

>trans\_c\_1 XM\_002328914|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT2, mRNA

AACACTATCTCTCCATTTTAGCAGCTGACTACCCAGTTGAAAAGCTTGCTTGCTATGTTTCTGATGATGGAGG  
TGCACTTTTAACTTTTGAAGCCATGGCTGAAGCTGCAAGCTTTGCTAATATTTGGGTTCCATTTGTCGAAAGC  
ATGGCATTGAACCCCGTAATCCTGAGTCATATTTAGTTTGAAAAGAGATCCATTCAAGAACAAAGTAAAGTC  
AGATTTTGTCAAGGATCGCAGACGTGTCAAGCGTGAGTATGATGAGTTCAAAGTTCGTATAAATGGACTTCCT  
GACTCTATTCGCCGTCGCTCGGATGCTTATCATGCAAGAGAGGAAATCAAAGCGATGAAGGTTCAAAGACAG  
AATATTGGTGCTGATGAACCAATAGAAAGTGTGAAGATCCCTAAAGCAACATGGATGGCTGATGGAACCCAC  
TGGCCAGGGACTTGGTTGCAACCATCATCTGAGCACTCAAAGGGTGACCATGCTGGTATAATCCAGGTGATGT  
TGAAGCCACCTAGTGATGAACCACTTACGGAACAGTTGAAGATGAGAAGCTTCTTGACCTTTCTGAGGTTGA  
TATTCGTCTTCTTTGCTTGTTTATGTTGCTCGAGAGAAACGACCGGGGTATGATCACAACAAGAAGGCTGGA  
GCCATGAATGCTCTTGTTGAGCGTCAGCTATCATGTCCAATGGTCCCTTATTCTCAACCTTGATTGTGACCAC  
TATATCTACAACCTCAAGCAATGAGAGAAGGAATGTGCTTCATGATGGATCGTGGTGGTATCGACTTTGCT  
ATGTGCAGTTCCCAACAAAGATTTGAGGGGATTGATCCTTCCGATCGATATGCGAATCACAACACTGTGTTCTTT  
GATGTTAATATGCGAGCTCTTGATGGACTTCAGGGACCAAGTTTACGTGGGAACAGGATGCCTGTTTAGGAGG  
GTTGCCCTTTATGGATTTGATCCACCTCGTTGCAAAGAGCATCAGGCTGGTTTTTGTAGCTGCTGCTGCGGGG  
GGCAACGAAAGAAGCATACATCAGTTGCAAGCAGCCCTGAAGAGAGCAGAGCTTTGAGAATGGGTGATTCT  
GATGATGAGGAAATGAATCTGTCTTTGTTCCCTAAAAGATTTGGTAACTCAACATTCCTTATTGATTCAATCCCA  
GTTGCTGAGTATCAAGGGCGGCCGTTAGCAGATCATCCAGCCATAAAAAACGGACGCCACCAGGTGCTCTT  
ACAATCCCTCGTGATCTCCTTGATGCTTCAACAGTGGCAGAGGCAATTAGTGTGATTCTTGTGGTACGAAGA  
TAAAACCGAATGGGGTAACCGTGTCGGGTGGATTTATGGATCTGTTACCGAAGATGTGGTCACTGGATATAG  
GATGCATAATAGAGGTTGGAAATCAGTTTACTGTGTAAACGAAACGAGATGCTTACCGTGGCAGCTCCGATC  
AACCTCACTGATAGGCTTCATCAAGTGCTTCGATGGGCTACAGGATCGGTCGAAATTTCTTCTCCCGGAACAA  
TGCTTCTCTGCTAGTCCAAAAATGAAGGTTTTACAAAGAATAGCATACTTAAACGTTGGAATCTACCTTTTCA  
CTTCAATCTTCTCATTGTCTACTGCTTTCTACCAGCCCTTTCCCTCTTCTCTGGCCAGTTCATCGTCCAAACGCTT  
AATGTCACATTTCTTACGTACCTTCTAATCATTACCTCACATTGTGTATGCTTGCGGTGCTTGAGATCCGATGG  
TCTGGTATTGAATTAGAAGAGTGGTGGAGGAACGAACAATTCTGGCTGATTGGTGGTACAAGTGCTCATCTG  
GCTGCTGTTCTTCAAGGTCTACTAAAAGTTGTTGCTGGCATTGAAATTTCAATTTACCTTGACATCGAAATCCGCT  
GGTGACGACGTAGATGACGAGTTTGCTGATCTCTACATTGTCAAATGGACATCTCTAATGATACCACCAATCAC  
CATCATGATCACAACTTAATTGCAATAGCAGTCGGGTTTAGCCGAACAATATATAGTGTATACCGCAATGG  
AGCCGGTTGATCGGAGGCGTTTTCTCAGTTTTTGGGTAAGTGGCTCATCTCTACCTTTTGTCTAAAGGGCTGAT  
GGGAAGAAGAGGAAGGACTCCTACCATTGTTTTGTGTGGTCAGGTCTCATTGCTATCACCATTTCTCTCTTT  
GGGTAGCCATTAGTCTCCAGCAGGAATAATCAAATTGCAGGTTCTTTCACATTCCCTTAAACATACAAATC  
CAATTCATTTCTTTTTATTTTTCTCACTCAAATTTCTTTCTGTTCAATTCTTTCATTTAATTCTCTCATAAATTG  
TACTTAGATTAGCTACACATATATTCCTTTGTAATTTCTTGAGAATTCATATCAAATTTTATATACTCAACCCC  
CTTTTTTTCTCTTTTCAATTCATTTCACTTCCAATTTCCCTTTTAATTTAAGAATTTGAACCTTTCATTGTTGATGAA  
TAACTTCTTGCTAGCAGATTGTAATAACAATGCACGGTTCCTTTATTGTTTGGATTCTCTAAGGTTATG  
GTATAGAACTGTTTAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_2 GU176320|Cucumis melo cultivar Hetao 3-hydroxy-3-methylglutaryl coenzyme-A  
reductase (HMG-CoA) mRNA, complete cds

TCTTCTCTATTTTTCTTTCTGTTCTCGCCGGAGAAAAACATCCCCAATGGACCGCCGGCGTTCTCTCCGAC  
CACCGCGTCCCAACGCCGTACAGGATGCTGATGCCACCTGTACCTTCCGTCGGGACGAACAAGACGCATCGGC  
GGCCGACCACTGAAAAGAGCATCGCCTAAAGCTTCGGATGCTCTTCCCCTTCTCTCTACCTACCAACACAA

TCTTCTTCACCTTTTCTTCTCCGTCGCTTATTATCTTCTTCACCGATGGCGCGATAAGATCCGAAACTCTACACC  
TCTTCACGTCGTTACGCTCTCCGAAATCGCCGCCATTGTTTCTCTCATGGCTTCCTTCATTTATCTTCTTGGATTT  
TTCGGTATTGACTTTGTTCACTCTTCATAGCGCGTTCTCTCCCGATGCCTGGGATCTTGAAGATGAAATTGAT  
CGAACTCTTCTCATCGACAACAATCGCTATGCTGCACCTCGTCCGCGTCTGCTGTCGCTTTGCCGTCCAAAGT  
GGTCGACGCCGAGGCTTTGAATACAATTCCATTGCCGGAGGAGGACGAAGAGGTTGTGAAAATGGTTGTGG  
ATGGTTCTGTTCTTCGTA CTGTTGGAATCGAAACTTGGGGATCCGAAACGAGCCGCTTCATTTCGCCGTGA  
GGCACTGCAGAGGACGACTGGAAGGTCGATCCATGGACTTCCATTTGAAGGATTGATTATGAGTCTATTTTA  
GGGCAGTGCTGCGAAATGCCGGTTGGGTATGTTCAAGATTCCGGTGGAATAGCGGGACCTTTGTTGCTGGAT  
GGATTGAGTACACCGTGCCGATGGCTACGACGGAGGGTTGCTTGGTGGCCAGCACCAATAGAGGTTGCAAA  
GCGATCTATGCGTCTGGTGGAGCAACGAGCATGTTGTTGAAAGATGGGATGACCAGAGCGCCGGTTGTAAGA  
TTTGGGAGCGCCAAAAGAGCATCTGAATTGAAATTTTTCTTAGAGGATCCTAGTAATTTTGATACCTTGCCCGT  
CGTTTTCAACAGGTCTAGTAGATTTGCTAGGCTTCAAAGTATCCGATGCTCTATTGCTGGGAAGAATCTTTATG  
TAAGATTTTGTGCAACACAGGCGACGCCATGGGAATGAATATGGTGTCTAAGGGTGTCCAGAATGTCCTTGA  
ATTTCTTCAACATGATTTCTCGGATATGGAAGTCATTGGTATCTCTGGAACTTTTGTGCTGACAAGAAGCCTG  
CTGCCGTGAATTGGATTGAAGGACGAGGAAAGTCTGTGGTCTGTGAGGCAGTAATAAAGGATGAGGTGGTG  
AGGAAGGTATTGAAAACCAAGTGTGCGAGTCTAGTAGAGCTTAACATGCTTAAGAATCTAACTGGATCTGCAA  
TGGCTGGCGCTCTTGGTGGTTTTAATGCTCATTCCAGCAATATTGTATCCGCTATTTTCTTAGCAACTGGTCAAG  
ATCCAGCACAAAATGTGGAGAGTTCTCACTGCATCACTATGATGGAACCTGTTAACAACGGCAGAGATTTGCA  
CATCTCTGTCACAATGCCTTCCATTGAGGTTGGTACTGTCGGAGGTGGAACCTCAACTGCATCTCAATCCGCTT  
GTTTGAATCTTCTTGGTGTGAAGGGTGCTAGCAAAGAGTCTCCGGGAGCCAACTCAAGGCTTTTAGCCACCAT  
TGTGGCTGGCTCTGTTCTTGCAGGTGAGCTATCCCTCATGTCTGCTATAGCAGCTGGACAACTTGTGAGGAGT  
CACATGAAATACAATAGATCTAGCAGAGATGTATCAAAACTTGAATCATAAAAGGTATTAGATCAACAAAAGG  
GTGGGATCCAGTAGAGATAGAAATAAAAGGGGAAAAGATTTGGATCTTTTTGGTGGAAAGTAGCAAAGAAAA  
TATGGCTTCTGGCTGGTTTACATGTGATTTCCAGAGACTAGCCTAGCTGGAAGGTGGCCCCCATCGAGGAAGA  
CATACAACATGGTTGGATAAAACTCTTCTGTGGTTCATCTAGACATATTGTGTGCCCCACGAAGATATTCGG  
TGTGTTATCTTCTGTTTGTGTTTCAAAGAAAAGAAAAAGAAAAAAGAAATAATTTATATTTATTCTATTCT  
GTTAGCCTTCTGACATTTGAAAACTTGATGATTCTCGTTGGTGTGTTATCTGTTTGTAGATTTGTAGACGAT  
GGTGGGGGAAGAGAGGGGCTTAGTTTTATGTATGATAATTATGTTTCTTGTACGTATTGCTTTGGTCAAGTT  
ATGGTGGTGGTTGTTGTAACCTTGTATGGTTGTAACCTTGATAACTTCAGATTGTGGTTCTAAACCATTCA  
CTGTATTTCAATGGGGTATGGGTTTTGTCGAAAAA

>trans\_c\_3 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AGTGTTGCGATCGCGCTGAGCAATTCTATAAGGTTAAATAAAAAATGAAATTAATCATTTGAGATAATTGCTA  
TGCTTAGTCCCAAAAGAACCAAGATTCCGTAAACACCATAGAGGAAGAATGAAAGGAATATCTTATCGAGGCA  
ATAGTATTTGCTTCGGGAGATACGCTATTCAAGGCACTTGAACCCGCTTGGATCACATCGAGACAAATCGAAGC  
CGGACGAAGGGCAATGACACGAAATGCACGACGCGGTGGAACAATATGGGTACCACGTTTTCCGGACAAACC  
CGTTACACTAAGACCCACAGAAACACGTATGGGTTCAAGGAAAGGATCCCCGAATATTGGGTAGCTGTTGTT  
AAACCAGGTAGAATACTTTATGAAATGAGTGGAGTAGCCGAAAATATAGCCAGAAAAGCTATTTCAATAGCG  
GCATCCAAAATGCCTATACGAACCAATTCATTACTTCGGGATAGAAATGTAGAATCAAAGGAAAGCGATCTT  
TGTTTAAGATGAAAAAAAACAATTGCAGATTTATTTTTTTTTTTTTTGA AAAACAATATTTCTTTTTTTTTT  
TTTTTACTTCGCCCTTTGCATTGAAAGAAAAGATTCCAAAATAATATGATTCAACCTCAAACCTTTTGAATGT  
AGCAGATAACAGCGGAGCCCGAGAATTGATGTGTATTCAATCATAGGGGCTAGTAATCGACGATATGCTCA  
TATTGGTGACGTTATTGTTGCTGTAATCAAGAAAGCCGTCCCAAATACACCTCTAGAAAGATCAGAAGTGATC  
AGAGCTGTAATTGTACGTACTTGTAAGAACTCAAACGAGAAAATGGTATGATAATACGATATGATGACAATG  
CTGCGGTTGTTATGGATCAAGAAGGAAATCCAAAAGGAACTCGAATTTTTGGTGGCATTGCCCGAGAATTGA

GACAGTTAAATTTCACTAAAATAATTTCACTAGCACCTGAAGTATTATAAAATGAGACAGACCGTGAGATAGTT  
ATACTATTTGAATGAAATTAATTAGTAGATTGTGTATCACGTATATACCTTTTAAAATTCATAACTATTTAATAA  
AAAAAGAATGTTGATTAGATCAAAAATTTAAGTAACCAATAATTTTCGTTTATCATGGGTAAGGACACTATTGC  
TAACATAATAACCTCTATTTCGAATGCTGACATGAATAGAAAAGGAATGGTTCGAATACCATCTACTAACATCA  
CCGAAAACATTGTTAAAATACTTTTACGAGAAGGTTTTATTGAAAACGTAAGGAAACATCGGGAAAGCAACAA  
GGATTTTTGGGTTTTAACCTACGACATAGAAGAAATAGGAAAGGACCATATAAAACGATTTTAAATTTAAAA  
CGGATCAGTCGACCTGGTCTCCGAATATATTCTAACTATCAAAAAAATTCCTAGAATTTTAGGCGGAATGGGC  
ATTGTAATTCTGTCTACTTCTCGGGGTATAATGACAGACCGAGAAGCTCGACTACAGGGAATCGGCGGCGAA  
ATTTTGTGTTATATATGGTAATCTTTATGATATTGGAATTATACACAGAACTTCCCTATTTGTAAAAA  
AAAAGAAAAGAGGTGGGTTTATAGTTTATAATACGACTCCCCCTTGATTAATTGATACTTTGAAGGGTGTTCG  
TCTGGAATGAAAGAGCAAAAAAGGATTTCTGAAGGTTTAACTACTGAATCACTTACCAATGATATGTTTTGGG  
TTTGTTTAGATAATGAGGAGCCAATTCTAGGTTACGTTTCAGGAAGGATTCAACATAGTTTATCCATATACTA  
GGTAATAGAGAGTCAAAATTTAGTAAGTTGTTACGATTCAACCAGGACCAGAAGGCGTATAATTTATAGACT  
ACGAAACAAAGATTGCAATGATTAGGTGAAGTAGTCTTTTACGTGCAATATTCTTTTTTTGTAGGGAGATCC  
AATTCGAAATAGAAAATTTCAAGAACTTATTTTCTCCAATAAGTAGATTAAGGTAAGGAATAAAAAATATG  
AAAATAAGGGCCTCCATTTCGGAATAATTTGTGAAAAATGTCGCCTGATCCGTAGGCGGAGACGAATTATGGTA  
ATTTGTTCCAATCCGAGACATAAACAAAGACAAGGATAATCTTTATAAAAAAAGGACCCCTAAAGGCCACCC  
ACAATATATACAAAAAAGAAATTAAGGATCCGTTTTGACATGAAATGGATATATCCATATATCTCTGACTTA  
GATTTATGAGATGATAAAATATGGCAAAACCCATACCAAG

>trans\_c\_4      HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)  
mRNA, complete cds

TGGGGAAGCTGATCTGAGCCTTTACCTTGGAGAAGACCAGCAGAAGATCACAGCTTCCCAATTCTCAAAAGAA  
GGAAGTGACAAGAAAGAGTATCCAGTTGATGTATCGCTGCCCACATCAACAGTGGGATCTACGGTACCGAT  
GATTTACAGGATGTATACTTTCAAAGTGAAGCCTTGTTTCGAGGGCGTATTTCGCACGATTGGACCGAGTGCCCTT  
TCGTTTCATCCCGGTGAGAACGCTAGGCGTAGAGACCCAGGAAGTACCCATATAGTTGCGTTCCATGCCCTGA  
ATTCCGCAAGGGGGCTTGTTCCAAAGGCAGATTCCCTGTGAGTATGCACATGGTGTGTTTGTAGTCTTGCTCCAC  
CCTGCTCAATACCGAACCCGGCTCTGTAAGGATGAGACTGGCTGCACAAGGAAAGTCTGCTTCTTTGCTCACA  
AACCTGATGAGTTGCGCCAGTATATGCATCAACAGGCTCAGGCATGCCTTACCCCGATCTCTTCGAGCAGC  
ACTGGAGATATGTCTACCATGAGCCGTTGGCTCTTGTTGCTCATCGTTGTCGTTGCCAACAACTCAACACC  
TCCCATGTCTCCCTTAGCATCAGTGTCTTCCCCTAAAAATGGAACTTGTGGCAGAACAAGATTAACTTACCC  
CTCCTGCTCTACAGCTCCCTGGTAGTCGGTTAAAGACTACCTTGAGTGCAAGAGATTTGGATTAGAGATGGA  
ATTGCTCGGATTAGAAAAGAACGCAAGCCAATTACAACATCAACAACAGTTGATCGACGAGATTAGCCGGCTC  
TCGTCTCCTTCTACTGGAATGCAGATGTAAGCAGGAGTGCAGAGATGAAGCCATCGAACCTGGATGACATGT  
TTGGATCATTAGATTCTTCTTATTGTCTCAGTTGCAAGGCGCCTCATTAAAAACACCGATCTCAGCTCAAGTTC  
AATCCCCGACTGGGCTGCAGATGCGCCAAAACATGAACCAACTTCGTGCAAGTTACCCATCTAATAACCTATC  
ATCCTCACCTGTAAAGAAACCTCCTCTTTGGCTTTGACTCATCAAGTGCAGTGGCAGCTGCAGTGATGAACT  
CAAGGTCTGCTGCCTTTTCAAACGAAGCCAGAGTTTCATTGATCGAGCTGCAGTGTCCTCTCTGGGTTT  
ACATCAGCTGCAAATTCTGCAGCTACTATGTCTTCCCATCTCTCAGATTGGAACCTCCCTGATGGAAACTAGA  
CTGGGGAATGAATGGCAACGATCTCAACAACTCAAGAAATCTGCTTCTTCGGTATCCGAAACAACGGCATA  
GGAACCTCCACGTTTCGCTCCTCCGGTAGAGGAACCTGATGTCTCTTGGGTTAACTCTTTGGTCAAAGATGTTCC  
CTCCGAAAGCTTTGGACTGTTTGGTGCCGAGAAGCGTCCATACAACCTCAAAGGGAAATCAATGAGATGCTC  
CCATCCTGGATGGAGCAGCAGTTGTATGCGGAGCAGGAGCAGATAGTGGCATAAGCAGCACTCCAAAAATC  
CCCTTCATTATGCTAACAATATCTAAGTTCTTTACATTTCAATATTTGATTACAGAACTAAAGTTTAAAG  
GTAGTAGTAAAAAGAGAATTGTTCTAGAGTCAATTCTAGTTCAAAAAATCGCCCTGAAGTTTCGCTATGGGAT

CGATCGATGATCATCGGACAAGCAGTAACAGTCTAATGATCAGATCAGTAAGATATCTTTGTATTCTTTTCATT  
GTATTATATTATATTTGTTAATTTTTTTCTCCAATTTGGGGCTGATATAAAATGAGTATGTATTCTCTAGTACAAT  
AATAATAAAGATAATGTTTCTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTAAATCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGG  
CCGGGCCCCCACTCCCCCTTAAGGGGGGTTAATAACCCGGCCCCGGGGCCCTTTTTTTAAAAGGGGGGGG  
GGGGAAAAACCCGGGGTCCCCCATTTAACCCCTTGGGGGACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGGAAAAAC  
AAAAAGGGCCCCCCCCACCCCCCTTCAAAGGGTTGGCCCCGGGGGGGGGAAGGGGGGCCCCCCGAAA  
CCCCCCATTAACGGGGGGGGGG

>trans\_c\_5 XM\_002893357|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

ACGCTTCCTCTTTCTTCTTCATCTTCACCCCAATGCCATTTCTCCAGATTTGATGCTCCATCCATGGCGTCCAAA  
ATGGCGATTCTCTCCAGGACTCATTCTAATCAGAACCACAAGCCTCAACAATGTCTGCTTCTCAAGCCATT  
TCCACCTTCACACGTCTCTCTCAAGAACCTCAGCTCGCTAATGAACCAGTGGACATTTCTTCAACTCCACTTCCA  
CCGAATCCCGCTCTGGTAGTCCACTTTACAATGAGAACTGGCGGAATCCATTACCAACTATTCTATGTCTCA  
CTCTATGATTCTGATGGTTTACTTAACCAATCCCCGAATATCGTATCCAAGCATTGTCTCAAACGCTTGATGT  
TCAAAGCTTGTTGAGCGTTTTTGTGATTGGATGGCTTCCAGCGCTGGGAAGATATGAAGCAGTTGTTTGAG  
TTTTGGATTGGTGCCTGGATAAGGATGGGAAGCCTAATAAGCCAGATGTTAACTTGTATAACAATTATTTGA  
GGGCTAACTTGATGTCTAACGCCACAGCTCGGGTGCTTCTGGATCTACTGGCTCGAATGGAGGACTATGCGAT  
CTCACCCAACACTGCATCATTCAATTTAGTATTAAAGGCGATGTACCAAGCTAGGGAGGTTGAGGCTGCTGAA  
AAATTGCTTGAACGTATGTTGCAGACAGGAGAAGAGTCAATGCCTGATGATGAATCATATGCTTTAGTAATTG  
GAATGCTGTTGTCAAAAAATCAGATTGATGCTGCCTTGAAATATATTGACTTGACCTTAAAATCAGGTCATATG  
CTGTCGTTGAAAGCATTCAATGAATGTGTGCGGAGCTGTGTTAAACAAGGCAGGCTGGACACACTGGTGTCTG  
GTAATTGATAAGTGCAAGGCAACTGTCCAGAATAAAGCTCTTAGCCCAACATGGAACCTTGTGTAGTGATATTG  
CTATAGCCGCAACTCAAGAGAATAATAGTAACTAGCTTATTATGCTCTAGAATTTATGGCCCAATGGATTGCT  
CGAGGTGAAATTGCAAGGCCTCCAGTTCATCTTTCAGTAGACGAAGGATTAGTTGTTTCCACTCTTGGAACCTGC  
AGGTAGAACCTACAGCTCTTCTCTTTAGATGCAGCTTGGTCAGTTCTAAAGCGCTCATTACGACAAAAGAAG  
GTTCAAATCCTGAGTCTTACCTGGGAAAGATCTATGCTCTTGCATCACTTGGGAATTTGCAGAGGGCCTTTAG  
TACTCTACGTGAATTTGAAGAGGCTTAGGAATTCTGACGATGGATCTTGTGAAGATACGTTTTCTCCGTTCA  
CTTCTTTACATCCATTAGTTGTGGCATGCTCTAAGAAGGGTTTTGAGACCCTGGACTTGGTTTATTTTCAACTGG  
AAAATTTGAGCCGTGCAGATCCTCCTTACAAGTCTGTTGCTGCATTGAATTGTGTGATTTTAGGCTGTGCAAA  
ATATGGGACCTTGATCGTGCATACCAAAACATTTGAAGCAATTGGTTCCAGTTTTGGTTTGACCCCCGACATCCA  
TTCATACAACGCTCTGATGTACGCATTTCGAAGGCTAAAGAAGACATTTGAAGCTGCAAGGGTATTTGAACAC  
TTAGTAGGTTTGGGCATCAAACCAATGCAACATCTTATTCAATTGCTTGCTGGTGCTCATCTCATTAAACGCGA  
TCCAAATCTGCTCTTGCTGCAATTGATAATATGGTAACGGCTGGATTTGCACCTTCAAAGAATTGCTGAAAA  
AGGTGAGGAGGCGATGCATTCGAGAGCAGGATTATGATAGTAACGATAAGGTGGGGTACCTGGCCCAGAAT  
TTCAAATTCGAATGGGATCAGAGAGCCGTAGGGATATTCTATTCAATCTGAACTACGGCAGCAATTACGATG  
CATAGGCTCACATTCCAACCTGGAAAATCAGAGGTGCGGTAATTGGTATGTCAAACCTGCTAGAGTTTGTCTCT  
TGAATTAATGCTATCCTGTATTTGTAAATTATTAGAGTCTACAAGCTTCAACTATGGCAGGATGAATGTTAGG  
ATCGTGCCTTCTTCTCATTATAGATTCAATTATTTGTTTTTTAGCCCTAAAGATAAAATTAGAGAAGCAGG  
ACTGAGTAGTTCAGACATTTTGATTTTGACGAATAATATGGCCGACTGGAATTGATTCTGTGACTCCGTCAGC  
AGCTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6 BT030360|Arabidopsis thaliana At5g64170 mRNA, complete cds



ATGGGCTAATATTGGAAGTTTTGATGACTTAGATAGAATTTTCAGCAATGATGACCCAATATTTGGCCAAGTA  
AGTCTCAGTGATGCTGATGAGCTATGGTCGCCTTCTTCAAAAGATTTGGGTAAACAGCCCAATGAAGCTATTCCC  
AACTGTGGAGTCACGAAATTTGGACTCCGGAGTGGATAATGAAAAAATCAAGAATCCAGAGTACTCAAAACA  
AAATGAGCAAGTATCTACTCTCCCAATGGGCAAAGTAATGATGCTGGATCACTTGCCTTCCGGACTGGAAGT  
GCAATCTTAACAAATGTAGAAGGAGATATAACTGCTACTATTGCAAAGGATCGGACAGGTCTGGAGAAAATG  
CCAAATCCAGATGCAGTGACACTTCAAAGAGCTGATATTATCACATCTGCCAATGAGTTTTCAAATAAGATTGG  
TAGGCAAAAGAACTGTTGAAATCTCGTAAAAGATCTGAGGGGAAAAGCAATGAGAAAATTCAAGACTTTTCG  
TGGTAACTGGCCTTCATCAACGAGCCCAGCAGGTCAAGTTTGATAACAATCTTGCTCTACAGCTGGGAACATCTT  
CGCCTTCAGTTATGACTAAACATCGGCAACTTCAAGGACTTGAGCCATTGCAATACCAGCGGAGTTCCAATCCT  
TCGATGCACCAAGTCATTTTATCCGATTGCTGCAAATGCATATCCTGCTGTACCCTTGTTGTCCCAAATTCAGCCG  
GTAGATCTCCAGCATCAACCTCTTCTTGGTCAAGATATTTCCCCTGGTGGTACGAATCGTGTGGACAAGCCAGC  
TGATGGGTTTGTGAAGTCTCTTACCATGACACCTCAAGAAAAAATTGAAAACTTAGGAGAAGGCAACAAATG  
CAGGCAATGCTTGCCATTCAAAAACAACAGCAACAGTTCAATAATCAAGTCTCTACTAGTAGTCAATCTATTTTC  
TCCAAAATGTCCCAAGAAATTCAGTCACAGCACATTGAAAAGAATGATCTTGATTCTGAAGAAATATACACTC  
TTCCCGCTCTAGATCCAAAGTCGCCTTTAGAGCAAGATGATTGCAATACAGTCTCCAGCACAGTTGATCGTTCT  
TCTATGGAAGATACAATTCTTTGCAGGCTTCAAGAAATTATTTCAAAGCTGGATTTCAAGATCAGACTTTGTAT  
CCGGGACAGCTTGTTCCGATTGGCTCAAAGTGCAATGCAAAGACATTATGCTAACGATACAAGTAGTTCCAAC  
AAAAGTAGCAGAGATGAGAATGACTTCACTGCTAAAGGAGAAATCAATAGTCATTGCAGAATTGCTGGGGTC  
CCGGATGCTGAAACAGAGACCAATCCCATTGATAGGACTGTGGCTCATCTGCTCTCCATAGACCCTTCGAACT  
TACACAAAATATGTTGATGCGCCCGGATCTCCTATTTCCCCTAACTTTCTTCTGAACAGAAGGCAGATTTGA  
AGAGCTTGCCAATGGAGTGCTTACCTTACAATGCATCGGGCAAACATCATGTTTCTTCTTGATGGGTCTAAAAGT  
TCTTGACGTTAGCAGAGACGCAGCAGCAGATAAAAAGTAGTCCTTGATGGAGACATCAGATAACACGTCC  
AATACTGGATTGGTAGATGATGCAGTTCTCGAGTATGAAGCTTCCCAGTGAGGAAATGTGCATGCCACTAATA  
TCATACGGATCTTACAAACACAGTTGTGGGAGCCTCAAAACATCGACCAACTCGTGGAGCTTGAAGTATCAA  
AACCTCAAAATGTACAACATGTCTATGTATTGAGAAAAAATAAACTCGGAAGAACGATTTGGAGACCAACTTG  
TCTGTATCTTAACATGCACCAGCATCAACTGGGTTGTGTTATTTGTGTGATGCTATGTCTGTGTAGTACCTGTG  
AGCGTCTGGATGTTTTTTAATTTTAGTTCTTGTGAAAGATTGAAACATAACTTTAGATCATTCACTCCAA  
ACCAATGGAGTTTCCACGACTCTGATAAAAATTTTAGTCCTAGTGGTTACTTTCTTAAGGTGAAGATTGGTGAA  
TTTGATTCTCAACGAGCTTCTCGAGTTCTGGTTGGATTTTGGATAACTCACTTAGTGTATTTGTATTCCCAAT  
GTATGTTTTATGTCTACGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_7 NM\_114919|Arabidopsis thaliana nucleotide binding (AT3G50590) mRNA, complete cds

GGGGGTGGAACTGGGAAATCAAACTCCCACCAACTTGAAGGCTATACCACAATGGGAGCTAGCTGCAGAA  
GTGATGCCGTATATGAAAACAGATGATGGTCTATACCTTCAATTGTTGCTGATCATATCGGTGTTTACCTTGG  
CTCAGTTAAAGGTAGAGGCAGTATCGTTGAAGTAGTAAGTGATGACAGCCTGGTCAAGTCTTTTGCACCCGCT  
GGTGGAATGTTGATAGGGCCACTGGGCTTCAAACACCTCTAGCAAAATCCATTTCTAATAAATCCAAGGCAT  
CTTCTGATGGTGACTCAAAGGATAATTTGATGGGTCTGGAACTCTAATGAAACAATCTTCTAGTTCAGCCGCT  
GCAGATGAACAGGCTAAAGCGGAAGAAGAGTTCAAGAAAACGATGTATGGTACTGCTAATGATGGTAGCAG  
TAGCGACGAAGAGAATGTTTCAAAAAGCTCGAAAGCTACACATTAGAATACGAGATAAACCAGTTACATCTCCC  
ACAGTTGATGTGAAGAAGATCAAGAAGCTACGATGCAATTTAACTTGGGGAAGGATTTGGCCACCCATT  
AGCAGAACAAAGTCATTGACTGGCAGACCCCGGACCTGCACAAAATTTATCCCAACCTCCTGCTACAACCTG  
CTTTAACAGCTCCAATTGTTTCTGCCACCCCGTTGATCCTTTTGGTACAGATTCATTGATGCAACCTGCACCAG  
TCCTACAGCCTTCTACTCAGGGCACGGGTCCAGGAGTTGCGGCCAGACCCATTCCAGAGGACTTTTTTCAGAA

TACAATTCCTTCTCTTCAGATTGCAGCTTCCCTTCTCTCTGGAACCTTACCTTTCACAGCTAGATCCAGCTTCT  
CGTGGAGTTGACAGCAACAAGGTCTCTTCCAACCAAGGCCAACGCACCTGAAGTTAATGTTGGCTTTCCAGATG  
GTGGTGTTCCCCCTCAAGCTTCCAGCAACCGGCTGTACCTTTTGAACCAATTGGACTACCTGATGGTGGAGT  
GCCACCACAATCCTTGGGTGAGCCCACTGCCATGCCGCCTTCAGTTTCAGCCAGTTTCAGCCAGCACAGCCTTCAC  
TTCCTTCACAGCCTATTGATCTCAGTGTCTAGGAGTTCCAAATTCGGTTGATTCTGGAAAGCCGCTCCACCTC  
AAGCAACTTCTGTGCGACCTGGACAGGTTCCCCGTGGTGCTGCTGCTTCTATATGCTTCAAGACTGGGTTAGC  
GCATCTAGAGCAGAATCATCTTTCAGATGCTCTGTCTTGTGTTTATGATGAAGCTTTTCTGGCACTTGCCAAAGACC  
ATTCTCGAGGAGCTGATATTAAAGCTCAAGCGACTATATGTGCTCAGTACAAGATAGCTGTGACTCTTCTTCAG  
GAAATCGGACGACTAAAAAAGGTACAAGGACCAAGTGCCTCAGTGCCAAAGATGAAATGGGCAGACTATC  
ACGCCATTTAGGTTCTTGCCTCTTCTTGCAAAGCATCGGATAAATTGTATTGAACTGCCATAAAACGGAATA  
TGGAGGTTCAAATTACGCTTATTCCAAACAGATGCTTGAACCTTCTTCTCCAAAGCACCTGCAAGCAAGCAA  
GATGAGTTGAGGAGCCTCATTGACATGTGTGTTCAAAGGGGTTTATGATGAACAAGTCCATTGATCCACAAGAA  
GATCCCTCGATGTTTTGTGCTGCCACCCTCAGCCGATTGTCAACGATCGGTTATGATGTATGTGATCTTTGTGG  
TGCTAAATTTTCGGCTCTGACGTCTCCAGGATGCATAATCTGTGGCATGGGAAGCATAAAAAGATCAGATGCT  
CTTGCGAAGCTGTACCTTACCGTTTGGTTAAACTAATTTGGACACTTCTTCTGGATGAACTTTCATGGTTTTG  
GCCATTTCTGAGTTTGCTTCCATATTCCCAACAAAGCGGCTGAACAGATTGCATTTGAATAACTGCTCGATGT  
ATTATATTATATAGTTTGTATGTTTGTATGTGGGTTTCTTCTTTTCTTTCCCTCCAATTTTGGCCTCCATTGTGA  
TTGTTTGTGTTTAGTATAAGTTCCTTTAATTTCTTTTGTAGTAAATGATTTTTAGCGTTGTATCATTTTTGTACATT  
TCATTTACTGTAGTGATATTAAAGCATATTATTTTATGAAGTGTTTTTCTCTCTTAAACAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_8 NM\_116494|Arabidopsis thaliana MLO1; calmodulin binding (MLO1) mRNA,  
complete cds

TGGAAGAAGTTTGTAAACGAACAACGCTGAGCTTTCAAACTAGAGAGAAATTCGGGAGGATTTTCTCCATTTT  
TCTTTCGATTAAATTATCCGGTGACCCGAGTGAAGTGAAGTCAAGAGAGAAGAACACGGAGCCGAAATGGGCGGC  
GGAGGTGAAGGAACGACGCTGGAATTCCTCCGACGTGGGTTGTAGCCGCCGTATGTACCGTCATCGTTGCC  
ATTTCCCTCGCCTTAGAGCGTCTTCTTCACTTCTCGGCAGATACCTCAAAGCAAGAATCAAAGCCGCTCAA  
TGAAGCTCTTCAGAAAGTTAAAGAAGAATTGATGCTTTTGGGGTTCATTTCACTTCTGCTCACTGTATTTCAAG  
GCACCATCTCTAAATTGTGTGTTCTGAGAGTTTGACCGAACATTTACTTCCGTGTGATCTGAAGGATAAACCG  
AAAGCTGAACATGGTTCCGCTCAGGTGAAACCGGTTCTGCAACGACGAAGCATTTTCAAACCTTTCTTTGTTTC  
GAGTATTTCTGGTACGGCCAGACGGCTTCTTGTGAGGGATCTGCTTCACAGGCTGGTTATTGTGCCAAAAAG  
AATAAGGTGCCATTGCTATCACTCGAAGCATTGCATCATCTACATATTTTATCTTCATCCTAGCTATCGTCCAC  
GTAACATTTTGCCTTCACTGTAGTTTTTGGAGGATTGAAGATTCGCCAGTGGAAGCATTGGGAGGATTCTA  
TTGCAAAAGAGAATTATGATACTGAACAAGTTCTAAACCAAAAGTCACTCATGTCCATCAACATGCTTTTATC  
AAAGACCACTTTTTGGGCTTTGGTAAAGATTGAGTCTTCTTGGTTGGTTGCATTCCTTTCTCAAGCAATTTTAT  
GCTTCTGTAACAAAATCAGATTATGCAACGTTACGGCTTGGTTTCATTATGACGCACTACAGGGGAAATCCGA  
AGTTTAATTTTACAAGTACATGATACGTGCCCTTGAAGATGACTTCAAGCATGTTGTTGGAATCAGTTGGTAT  
CTTTGGATATTCGTGGTTGTCTTCTTGTTCCTAATGTCAAGTGGTTGGCATAATTTCTGGATAGCATTCAAT  
CCTTTCGTTCTTTGCTTGTGTTGGAACGAAGCTGGAACATGTGATAACCCAGCTGGCTCATGAGGTTGCAG  
AGAAGCACGTAGCAATTGAAGGTGATCTAGTAGTCCAACCGTCTGATGATCACTTTTGGTTTCAACGTCCTCGT  
ATTGTTCTCTTCTTGATCCACTTCATACTTTTCCAAAATGCTTTTGAAGATTGGATTTTTCTTCTGGATATGGGTTT  
AATATGGATTGACTCGTGCATCATGGGACAAGTCCGCTATATCATTCCAAGGCTCATATTGGGGTGTGTTGTC  
CAGGTTCTTTGCAGTTACAGCACCTTCCGCTCTACGCCATTGTCACTCAGATGGGAAGTTCTTTCAAGAAAGC  
AATCTTTGATGAACATGTACAAGTAGGGCTAGTTGGCTGGGCTCAGAAGGTGAAGAAAAGAAAGGGACTTA  
GAGCAGCTGCTGATGGCTCCAGTCAAGGAGTCAAGGAAGGTGGTTCAACTGTGGGGATTCAAGTTGGGAAT

GTTATGCGCAAGGCTTCTGCACCTCAAGAAATTAAGCCTGATGACTCCAAATCAAATGATCTTCCTTAGTACAT  
ATGGCTCCAAATCAACTCATTAAAGCTAAGGTAGCCAGCTTTTCTCTCTCCATTTTATAGAGTTGTATTATACAGT  
AACCTCTATGCTTACCCCGTTCCGTAGGAGAAACGTGCAAGCTATTTGTTATACTGTAAATTTTACCTTGGA  
ACAATCTTATCCATGAGTTGTATCTTGTTTTCACATTGATAGTCTATCCTAGGCTTTTGTATTTGTGAATTGCGAT  
GCTGTTTTTCTTTAGTTTACCTTGTAAGAGTATACAAAAATGTATCATATTTGATGTTGTCTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTACAAACCCCCC  
ACCCCGGGGGGGGGCCCCGGGCCCATCCCCCAAAGGGGGGCAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTT  
TAAACCCCGGGCG

>trans\_c\_9 AY039573|Arabidopsis thaliana At2g43320/T1O24.6 mRNA, complete cds

TTCAGCTGTGAAAATTTCTTCTTGACGTTGTATTCTCTTTGACTTTGATTGTAAACCGAACCCATATCTCTTT  
CTTGTAAGCTCCTGTGTTTCTCATGCCTATTCATATCTCTGACCATAATACTTTTCTGGGTCTCAATTGTCTC  
ATAATTTTCTCCATTTTCCCTTCGCCATTCCAAGTAGCTTCTGGGTATCTTTAATTCCTTGAGGTATAATGAG  
AGCGCCATCACTACTTTCACAGTGCTTGCCTGGCTTGTGCCGCAAGATAAAGGAAGCCACAGCTCTCCCTCCA  
TTTCAGAGAGAGATGTCCACCTCCCTCACCAGCTGTTGAGATTCTCCCTCAAAGACAGCTCATCCATACAAA  
TATGCAGGGGAAAACGTAGATTGCAAGGTCTCAACGTTTTTAAGGGTAGAGTCAGTGTAGCTGATATAATTG  
GCTTTAACGGCTCGGAATCTACATCTTCAAAACCTGAAGGTCTGAAATCATGGGACAGTTCCATTGATCTT  
GTAAATGTCCTTAAGCATGAGATTCGTGACGGACAACCTGAGCTTTAGGGGTAAAAGAGTACTTGAGCTGGGG  
TGTAAGTATGGAATTTCCCGGGGTTTTGCTTGCCTCAAGGGAGCAAGCATAGTGCATTTTCAAGACCTGAGTG  
CAGAACTGTTAGATGCACAACCATACCGAACGTCCTTGCCAATCTCGAACAAGCTCGGGACAGGCAGAGTA  
GACAGCCAGAGAGTCCCTTAACCTCCGTCTCGACACACTTTGGCCCCATCAGTACATTTCTATGCTGGTGACTGG  
GAAGAGCTTCCAACAGTTCTATCCGTTGTTAGAGGTGATGGATTGCAAGCACCCACTGGAATGAGCTTGAGTT  
TCTCCGAAGAAGATTTTATGGATGGTTGCAGCAGTCAAGATGGCAGCATCATCGGCCACGAGTCTTCTCAAG  
GAGATCGAGGAAGCTATCAGGAAGTCGAGCATGGGAGAGGGCTAGCGAGGCTGATCAGGGAGAAGGTGGA  
TACGACATCATTTTAAATGGCAGAAATCCCATTTTCGCTTAACTCTTTGAAGAAGCTATATGACTAATAAAAAA  
GTGTGTGAGACCTCCCTATGGTGTGTTGACTTGGCCACAAAGAAGAATTACGTCGGTTTTCAACAGTGAGCA  
AGGCATTTGAGGAGTTTGGTCGATGAGGAAGGCGTTTTTGGAGCTCACTTGGTGAAGGAGATGACTGACCGA  
GACGTTTGGAAGTTCTTCTCAAGTGAAAGAATGGAAAAAGAAAACAGGACAACTCTCGAAGAAACCATGG  
AGTGAAGTCCATGTGCAGGTGCCTTTTACTACAACAGTCAAGTTTTATGTAATAATTTTATCACAAAGCATAT  
GTTTTTAAGGGAGTTTGCTTAAGTTAGAATGGGAATTGTTTAGTCAGTGGATCATTTATTATTATACTTCTTTGA  
TTGTATAATCTGTATTTTTCTTCTTTAATTTCTTATCAATTTTGTGAGGAATCTCCTTGCCAGTGCTGTAAATTA  
AACACTCAGTAAATCAAAAGTTCAATGTTCTTATTATTTTATTTTATTATTATATATGTATATGCTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCC  
CCCCCCCCCAAAAAATTAAAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCCGAACCCAAATCCCCCAAAAGAA  
AGACAAAAAACCCCCCCCCACGGCCCCCTTTTAAAAACCCCGAACGGAAAAAACCCGGGCTTACCCAAAT  
AAACCCCTTGAACAAAAACCCCTTTCCCCACGGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCCAACCCCCCCCC  
AAAAATTTCCCACCCAAAGGGAAGGGAACCCCCCGAAACCCCAAAAAAACCCGGCGGGGGGGGGGG  
GATAACCCCAACGGGAACCCAAACATTTCCAGCCCCAACCCCCCCCCCTTTCTTTTCTCCCTTCTTTTCCC  
CCCCGATTCCCCGTTTTCCCCGAAAACCTTAAAAACGGGGGGCCCCCTTAAGGGTCCAAATTTAGGGTTTCCCC  
CCCCCCCCACCCCAA

>trans\_c\_10 BT029731|Arabidopsis thaliana At5g64300 mRNA, complete cds

TGGTGT TTTGAAGAGAGCTGGACATACTGAAGCGTCTGTTGATCTTGCGGTGCTTGCTGGATTAGCCCCGGTT  
GGAATCCTTTGTGAGGTAGTAGATGAAGATGGTTCCATGGCTAGGTTACCAAACTCCGTGAATTTGCCAAAC  
GGGAAAACATAAAAATCATTTCCATTGCTGATTTAGTCAGGTATAGGAGGAAGAGGGGATAGATTAGTTGAAT  
GTGCTGGAGATGCTGCTCGTATGCCGACTAAATGGGGACCATTTCAGGCATATTGCTACAGATCTATTTTAGA  
TGGAATTGAGCATATTGCAATGGTTAAGGTAAC TACTTTGTTCATAGTGCAAAGCTTTGTAAAAGCATTGTCT  
ATTACTGGTGCTACTATATTTAGCCCCCTTTGTTAGTGTTACATGATGAGCCTGCCCCAGTCTGAAGAACTATT  
TTATTGCAATTTCTCTTGAGATGGTCTTCTTTTAGTTCTAAATTCTGCCGAGTACTGAGCATGATGGTGTGCT  
CTTAGGTGAAATATCAGTGTCGAATGAGATCAAGACTTGATTACAAATTTACGGACTACTTGCTTTTGGCAGG  
GTGATATTGGTGATGGACAAGATATTCTGGTGAGGGTACACTCAGAATGCCTCACTGGAGATATTTTTGGATC  
AGCTAGATGCGACTGCGGAAACCAGCTTGCACTAGCAATGCAGATGATTGAGGCTGAAGGCAGGGGAGTCTT  
AGTTTATCTTCGTGGTCACGAAGGACGAGGCATAGGTTTGGGCCACAACTTCGTGCATATAACTTGCAAGAT  
GCTGGGCGGGATACTGTGAAGCCAATGAGGATCTAGGACTGCCTGTGGATTCTCGCAATATGGCATTGGT  
GCACAGATTCTAAGGGATCTTGGGGTGAGAACAATGAAGCTGATGACAAACAACCCGACGAAGTACAAAGG  
CCTAAAGGGGTATGGCTTAGAAGTCTCAGGTAGAGTTCCCCTGATAACACCAATTACAAAGGACAACAAGAG  
ATACCTAGAGACGAAGCGCGCCAAAATGGGGCATGTCTACAACCTTGAGTTTGGCGGTAGATTAAGAAATCG  
AACCGATGAACGTGAAACATCAAATGGCAGTGTTGCATCAAGTGATGCTGTTGCTTGAGCTAGTAATGCGAA  
ACTTTAAAGAGAGATAAAGAAAGGGTTGATAATCAAAGTTGTTGGAAGTGAAAATGATGCTGCTGCAGCTGC  
TGGCTGACCCATAAGAAAAAAGCCTAACTTGTAAGTAAACATAACATTGGGTATTATAGTTATTATTGATTC  
GGTTTAATGTGTTGGGATTATTATTTTATTGATTGGAATTCACAATAGGGATGAAGTTTCAAGAACTAGAACAAT  
CGATGATATGTGGTATGAACCTGCTACTCTAAGAAAGAAGCACAGATATAGGACAGACACAATCAATACACAC  
ACGTTGAACACGATTTTTTTTATGATAAAGTTTATAAAACAGTACTAATATGTAATAGTATTGAAACTTAAGGTT  
GAAATACGCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCC  
CCCCCCCCCCCCAAAATTTTTTCAAACCCCCAACCCCGGGGGGGGGGGGACCCCATTTCCCCCTAAAGG  
GGGGCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACCCCGGGGGGGGAAAAACCGGGGTTTCCCCAAT  
TTATCCCCTTTGAAAAAACCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAGGCCCCCCCATTTCCCCCTCCC  
CAAAATTTGCCACCCGAAAGGGGAAAGGGGACCCCCCGGAACCGCCCCATTAAACGGGGGGGGGGGGG  
GGGTTACCCCAAGGGGGCCCTTAATTTTGCCGCCCCCAACCCCCCCCCCTTTCTTTTTTTCTTTTTTTTTT  
CCCCCTTTGCCGGGTTTTCCCCGAAAATTTAAACGGGGGGGGCCCCCTTTGGGGTTCCAATTTGGGTTTTACG  
GCCCCCCCCCCCCAAAAATTTGTTTGGGGGGAGGGTCCCGTGGGGGGCCCCCCCCCGAAAAACGTTTTTT  
CCCCCTTTGCGTGAGGCCCCCTTTT

>trans\_c\_11 NM\_105914|Arabidopsis thaliana tRNA synthetase beta subunit family protein  
(AT1G72550) mRNA, complete cds

AAGAAAAACGAAGCCCTAGCCTCCAACATCTTCTTCTTCTCATCTCCTTGAAGCCGCCGACCACCCGCTCCT  
TCTACTCAGTTTCTCGATCAGCTACAGTCGTAAAGTCTTCATCAACTTCTAAAAAGTCAACCATGCCGACCGTA  
AGCGTCGGAAGAGATCTTCTTTTGTGCTGCCATTGGAAGAAGTTACACGCAGGAAGAGTTTGAAGAGCTATGCT  
TTAGGTTTGAATTGAGCTTGATGACGTTACGACGGAGAAGGCGATTATTAGGAAAGAGAAGCATTGGAAG  
AAGAAGCGGATGAAGATGAAGAAGTCATCTACAAGATTGAAGTCCCCGCGAATAGATACGATTTGCTATGTC  
TGGAAGGGCTGGCACAAGCACTGCGCATTTTAAATGAGCAGGAGGACACACCCAGATATACATTAGCCAATA  
TCAGCAAAGAATCTATGCATAAAATGCATGTAAACCGGAGACTTCATGATCCGTCTTTTCATCGTTTGTGCT  
GTTTTGAGAGACATGACTTTTGATGAAGCAATTTATGATAGTTTTATTGATTTGCAAGAGAACTTCATCAGAA  
CATATGTCGACGGAGAAGTCTCGTCGCCATTGGAACCTCACGACCTGGATACACTTGAAGGCCCTTCACCTAT  
GAGGCTTTGCCACCTACAGCTATAAACTTTGTGCCTCTGAAACAGACAAAGAATTTAGAGCCGATGATCTAA  
TGGAGTTCTATAAATCAGATTTGAAGCTGAGGAAGTACGTGCCATAATAGAAAAGTCACCTGTATATCCCAT

TTTGTATGACCGCAACAGAACTGTTTTGTCTTTGCCACCAATTATCAATAGTGCACATTCAGCTATTACTTCGAA  
GACAAAGAATGTGTTTATTGAATGCACCGCGACTGATCTGACAAAGGCAAATATTGTCTTGAATACCATGGTA  
ACTATGTTTTCAACGCTGTGCAAAAAGAAGTTTGAAATTGAACCAGTTGAAGTGATATATCCGGATGGCAGGT  
CGTGTATTTATCCAGAAATATCTCTCTACAATATGGAAGTTTCTCTGTCTTATATCAATAAATGTATTGGAGTCT  
CATTGGAGACAGAAGAGGTTATCAGTTTGTTAAATAGGATGCAATTGCACGCTGAACAGTCAGCATCTGGTG  
ACAAATCTAGTCTAACTATATCTGTGCCCCAACAAGGAGTGATGTGCTACACCCATGTGATGTCATGGAGGA  
TGTTGCTATTGCTTATGGGTATAATAATATCCCGAAGAAGAAACCAGCATCTTTCAGCCTCTAACATTAAATG  
AGTTCAGTGACCTTATTAGAGGAGAGATTGCAATGAGTGGGTTACGGAGGTACTTACGTGGATTCTATGTTT  
TTATAAAGAGAACTTTGCCATGTTAAAGCGTGAAGATGATAAATCTACTGCAGTTGTCATTGGAAATCCTCGTT  
CAACTGATTTTGAGGTTGTCCGAACCAGTCTTATGCCTGGTCTTTTGAAAATTGTTGGACATAATAAGGATCAC  
CCAAAGCCCATAAAGATATTTGAAGTTGGTGATGTATCATTGCTGGATGATTCAAAAGATGTTGGCGCTAGAA  
ATCATCGTTATCTTGCTGCTCTACATTGCGGTGCCAATTCTGGATTGCAATTGATTCATGGTTTGTTGACCGA  
ATGATGGAAGTCGTGGGAGCTCCTTTGTCTCAGTTGGCGATGATACTGGGTATTACATAAAATGTTGAGATA  
ACCCGGAGTTTCTTACTGGTAGACAAGCTCACATCATTATAAAGGAAAGAAAATTGGCACTTTCGGAATTGTT  
CATCCCAGGTTTTGGAGAACTTTGACATTCCCGATCCATGTTCTTAGTTGAAGTTAACATGGAGAGCTTTTT  
ATAGCATTGATTCCACAGTCGATGATACGAGTTTTGAGGTTTTTCTCAGCTAACTCTCTCCAAACAACACACGT  
TCTGTGTTTCGAGAACTCGAAGGCTGTCTCGCTTCAACTTTAATCCCTCATCTAAAGAACCACACTCAGAACT  
TTGGCCATTTGTGGTGTAATTGTATGCCAAAACGTTGGTTCACTCTCCATTAAAGTTTTTAACATTCATTGTCAT  
GATTTACAGGCAGACTAATTTTTGGTATTTAATATACAACGGTCTATATTTCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_12 NM\_001070841 | Oryza sativa Japonica Group Os10g0204100 (Os10g0204100)  
mRNA, complete cds

CTGGGTGGAGCTTTACGCAATCCCCATTATACTCGCCACCCAACCTCCATTCCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTC  
TGTTCTTTTCCATTTTCTTACCCTCGCCTCTGTCAATTCACCCAATTCACCCCTCCCTTCTATATCTTCTTCTT  
CTTCTTCTCTTTTCAATCACCTTCTTCTGCCTTCTTTCTCTTTTCTCATTGGGTTCCCCACCTTCAGATTG  
ATTCACCCCATGGGTAACATTGGCAGTTCGGGTTCCAATGCCCGTAGAAGACACGGTAGTCGCCGGAATCAC  
CCAATCCCCACCCCCACCACCACCCCAACCCGAAATTACAAGTAATCGATACGTTTTCGCTGCCGCTACGCC  
TTACCCAACTCAATATCCCAACCATCCCAATCATCCCCGCCGTATTACCAGTATCCTGGCTACTTTCCACCGCC  
ACCTGGTCCACCGCCTTCCATGCCGATGCCTTACC GGCGCCTTACGATCACCACCATCGTGGAGGTCATCCCC  
AGATGGATCCTGCTCATTGGGTTGGTGGGAGATACCCTTATGGCCCTCCTATGCCGCTCAAACGCCCTATGTT  
GAGCATCAGAAGGCGGTTACTATACGGAATGATGTTAATCTCAAGAAGGAAACTCTTAAGGTTGAACCCGAT  
GAAGAAAATCCGGGGCAATATCTTGATCGTTACGTTTCGATGCCACCGTTGCTGGGAGTATCACCATTTTCTT  
CTTTGCGAAAGAAGGTGAAGATTGCAACTTGACCGCGGTAAAAGAAGACATTTTTCAACCAGTAACCGTTCAT  
TTTGAGCAGGGGCTTGGACAGAAGTTCAGACAACCTTCTGGAACAGGAATAGATTTCTCAAAGTTTGAAGAG  
TCTGAGTTTCTGAAAGTGAATGACACCGATGTCTATCCATTAGTCGTAAAAGCTGAAGCTTCCACAGACACCCA  
AACTGGCCAGATGGTACCCCGGTACCTGATCCCATGAATTCTCAAATAACACAAGCAGTGTTTGCGAAAGAT  
AAAGGTGAATATCAGGTAAGAGTGTTGAAACAAATCCTGTGGGTCAATGGTATGAGATATGAGCTACAGGAG  
ATATATGGCATTGGCAATTCAGTTGAGGGCGATGTCGATGGAAATGACCCTGGAAAGGAATGTGTCATTTGCT  
TGTCAGAGCCACGGGATACGACTGTCTTCCCTGCCGACACATGTGTATGTGTAGTGGTTGTGCTAAGGTGCT  
GAGGTTCCAGACGAATCGATGCCCAATTTGTAGACAACCCGTGGATAGGCTCTTAGAGATAAGGGTCAGCAA  
TGGGCCAGAAGAAAGTTAAGAACGGTACTATCATAATATTACCATTGAAGCAAACCTCTGTACAGCACTGTGTT  
TATTGCATTTCTTTTGCATCATCTGAATTGATTTCTTTCCACCGGAATTTTCTACATGTTGATCTAAATAATC  
AAGAAAGGAAAGCTGCTTTAAGCTTATTATCAGCACATTGTGACATTGTGCAATGGAAGAAGAAAAAAGAA  
GGAAATTGTAAACAGTTGTGCTTGTATTCTCGTCATCAGAAGTGTCTCTAGAATTTATCTCTAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAACCTTACCAAACCCCCACCCCAGGGGGGGCCCCGCCCCATTCC  
CCCCAAAGGGATCCTAATACCCCCCCCCCGCCCCCTTTTCCACCCCTGGCCGGGAAACCCCGGCGT  
TCCCCACTTAATCCCCCTTGACCCCTCCCCCTTCCCCACCGGCGTAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCATCC  
CCCCTCCCCACCATTTCCCCACCGAAAGGCCAAAGGGAACCCCCCGGAACCGCCCTTAAACCCGCGGG  
GGGGGGGTTTCCCCACCGGGCCCCCTCCCTTTCCCCCCCCCAACCCCCCCCCCTTCCCTTTTCTCCCTTCT  
TTTCCCCCCCCCTTCCCCGGTTTCCCCCTCAACCCCAAATCCGGGGCCCCCTTAAGGTTCCCAATTTATGGTTT  
TCCGCCCCCCCCACCCCAAAACCTTATTAAGGGGAAGGTTCCACTAATGGGCCCTCCCC

>trans\_c\_13 XM\_002880063|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

ACCGCGTCCTTCCGATTCCGGCCACCGCCTCTGCCTTCTTTACTTCATCCCTTCTTCTTCTCCTCCGTTCTGTGG  
AAGTACAGTCTCCATAATCCACCTGCTTACTTCTGTTCTGCTGCCGTCTCCGATGGGTGAAGTGCAGCTTTAG  
ATTGCCCTAATCTTCCCCTGATTGCAGGAGGAGTGATGCTTCGATGGATCTTTGAATTTGAGATTTGTTTTG  
GTTGTGAGGTTAAATGATAGGGAAGATTCGGTGTAGATGCTAATGGGAAATAACTCAAGAGAAGATATAAT  
GGACCTGGATTTGAATCAAGAGCCTTTGGACCAATCATATGATTCAGTGTTAGGGTTAGACACTATACTGAGT  
GACCTTGAAACTGCTCATGGACGCATTGAAGAACGCATTCCGGCACTTGAAGCTGTTACGACAAGGGCTACAC  
GGCGACAGAGATGGCGACATGCTCCGACTGTTACTGAACCTGCTGAAACTCCAGCAGCTTATGCTCTCCTTGA  
AAGACAAGAGACTGTTAATGATAGTGCTTCTGCTCAAGAAAGAATACTTCATTCCGGAGAAAAGTAGTAAAAAG  
AATGGGCCTCATTTGGTTGCCAAAGCATTGGGGATGGATCTAGAGCCAAAGGCCACTGGAAACAAGATGGGA  
AGTTTTTTCGATTGTAATATATGTTTGGATGTCGCCAAGGATCCAATATTGACCTGTTGTGGTCACTATTTTGT  
TGGTCTTGCTTTTATCAGTTATCTTATGTTTCATTCAAATGCTAAGGAATGCCCTGAATGTCAAGGTGAAGTAAC  
AGACACAAGCATCATTCCAATCTATGGCCATGGGAATGGCAATCGTGCCCAAAAGTCAAAGCCTAATGATTCT  
GGTTTGAAAGTTCCTCCCAGGCCACGTGCACAAAGGATTGAGAGTATGAGGCAGCAAATTTGTTCCGAGGG  
GCATCATCTTCTCTCATTGAAGAAAGGATTGAGCAGATTAGTAACATGACTGGGGCAATGGGGGAGCAATCTC  
GGTCACAGAATTTTGATGTTACACAAGGAAGGATTGAGAGGACTAATTTGTTGGGCCGGAGGCGTCGTGCCA  
CCCAAGTATTGCCTGTTCTGAGAATGAGAACAATCAGCAAAGTCGATCCCTTCAAGTTTCTAGATTGCTGCTG  
CAAGGTGCTGCCTCATTTTCATCTCTCTCATCTGCTTTGAATTCGGCAATGGACTCTGCTGAAAGATTAGTTGA  
GGACCTTGAGACATACATCCACAATCATAGTGCAAGTAGAAGCCGCCACACTCTGTTCTAACAATCCTAACA  
ATGGAGATTCCTTGTCCGGTATCGTTCCAAGTGTGCAGTCGGATGGTATAGCCCCAGATCCTGTTGGTGAAT  
CACCTTCTGGTTCCCCAGTTTGAGTCATCTTCTAGAAGTATGGATATTGCTACAAATATTGAACGTCTAGAAA  
GCCAGACCAGTAATGCTACTGAGTTTGACCGAATCATACTCCCATCTCCATCAACTAGAAGGAGGAGTGAGTT  
ACCACGACGGTCAGATATGGATAATGTACTTTTACAGGAGCGAAGGAGGAGGAGACTGGGATAATTGTATTG  
ATAATGAAGTTCTCATTGTATGAGATATTTATTTACTTCATCACTTTTCTTTTTAAGTTATTGAATGTTCTTCA  
ACATTGGGGTGATTCTTGCTGGTGTGAAATCCCATATAAATAACAGCTCTAAGAAGTTTGATGGTTCGATTTTCT  
GACAAGGCATCGGAAGATTAAGAGGAGCGATCTCGTTAGCTTTCCAGCTGCAACACACTTATAACGTCGCGA  
GCTGGTTGCTGCAAAAGCTCGTGCTGAATTTGTTCTTCATGGAAGATGCATATTTGATATTGGTAATGCTTCG  
TCGTCATATAGCTGTTGATGTAATGGTAAGCTCCTGTAATGTATACACGCCATGTGCAAGTCCCTCCCCCTTCC  
CCTCCCCCAATGAATTTGGCATCCAAAATTTCCCATGGTCTAGATAGATAGATTGTACTGGTGTGGAAATTA  
CTGAAATCAATATGTAGCTTTTCTTCTGAAATTCTTTCATTGAAGAGGAGTTGTGTTTTGAGGAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_14 L34343|Ruta graveolens anthranilate synthase alpha-subunit mRNA, complete cds

ACACACGTGCCTCTCTCCTCGATTTTATATCCCCTCTCTCCCGCCGCCGCTTCCGTCCGTGTTGCGCGACCGC  
TCCTCTCTTCTATCTCTCTCCTTCGTTGTGAAGATGTGCAACAAAATTTGTAATATTGATCGACTCTACCG

AAAGTTCAATAATAAACAATTCCATTTCAACGTTTCTCAGTCACATTCTGCTCCTGATTTGTCTTCCTCTAGCATT  
TCAATTTTCCGGTAATAATGAATACCCTAGCTGCCACTTCGAATCAATTGCCTCTAACTCTCCGGCTGCCGTCCA  
AGATTTCTCTCAACTATGACTCTAAATTCTCAAGATTGAGCTCGACCTCTCGAGCTCTTGTCGGCGGTAACCCA  
AGAGCGCGTGCAATCAAATGCTCTGCTGTATCACTGGTCGACATTCCAGAAGCATTTATTGAAGCTTCAAAGA  
AGGGGAATTTGATCCCGCTTACCGATGCATATTCTCTGATCACCTTTGCCAGTGCTTGCGTACCGCTGTTTG  
GTCAAGGAAGATGATAGAGAAGCCCCAAGTTTTCTATTCGAATCCGTTGAACCTGGCCTGCAAGTTTCAAATG  
TTAGGAGATATAGTGTGCTTGGTGCTCAACCCTCAATTGAAATTTGGCGAAAGAAAATGTTGTTACAATTTTG  
AATCATGAAGAAGGGAAAAGAACGGAGGAGATTGTTGAGGATCCTATGACAGTGCCTCGAAGAATCATGGA  
GAAATGGAAACCTCAACTAATTGATGAACTTCTGACGCTTTTTGTGGAGGATGGGTTGGTTACTTTTCGTATG  
ATACTGTCCGCTATGTAGAAAAGAAGAAATTGCCATTCTCTAGTGCACCAACAGATGACAGAAACCTTCCTGA  
TTTTCATCTAGGACTTTATGATGATGTTATTGTGTTTGATCATGTGAATAAGCAAGCTTATGTGATTCATTGGGT  
TCACTTGGATCAATATTCTTCAGTTCAAGAAGCATACAAGGATGGAACCGCTCGGTTGGAGAAGTTACTCTCC  
AGAGTACATGACATAGTTCCACCAAACTTCCTGCAGGATCAATAAGATTATTAACCTCATCTTTTTGGTCCAAA  
ACTGAAGATGTCAAGTATGACAAGTTTAGAGTACAAGAAGGCAGTTTTGCAGGCTAAGGAGCACATCCTGGC  
AGGGGATATCTTCAAATTGTATTAAGTCAGCGTTTTGAGCGCCGAACATTTGCAGATCCATTTGAAGTTTACC  
GAGCTTTGCGGATTGTCAATCCCAGCCCATACATGACTTATTTGCAGGCTAGAGGTTGCATCCTAGTTGCTTCA  
AGTCCAGAAATTCTTACACGCGTGAAGAAGGGAAAGATTACAAATCGACCCCTAGCTGGAACCATTAGAAGA  
GGGAAAACAGAAAAGGAGGATAAAATGTTGGAGAAGGGGCTTNCACGATGCAAAGCAGTGTGCTGAGCAT  
ATCATGTTGGTTGACTTGGGAAGAAATGATGTTGGGAAGGTATCAAGATCTGGCTCGGTTAAGGTTGAAAAG  
CTAATGAATATTGAGAGGTATTCTCATGTCATGCACATTAGTTCAACTGTCACAGGTGAGTTAGTAGATGATTT  
GAACAGTTGGGATGTCTTGCAGCTGCCTTGCCGTGGGGACAGTTAGCGGAGCACCAAAGGTGAAAGCAA  
TGGAGTTGATTGATCAGCTGGAGGTTACCAGGCGAGGACCGTACAGTGGTGGGTTTGGTGGGATTTCAATTT  
CAGGAGACATGGATATAGCCCTTGCACTAAGGACCATTGTCTTCCCCACTAATACCCGTTACGACACCATTAC  
TCGTATAAGGATGCAAACCGCCGAATGGAATGGGTAGCTCACCTCCAAGCCGGCGCAGGCATTGTGACGGAC  
AGTGACCCCGGTGACGAACAAAGGGAGTGTGAGAACAAAGCCGCTGCACTTGCCCGTGCAATTGACCTTGCA  
GAGTCGTCATTATCGGAAAATAGTGACAACTTTTGTATTCTTACTGTTCTTTTCATCCATCGCTCAGTAG  
TTTCAAGTTCCAATTTTTGGGTTCAAAAATCACGATAGATATAACCATTTTATATTAGTTTTTATTACTCCAGTAC  
TATTTAGTCTCTAGGTATTTGAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_15 AF325014|Arabidopsis thaliana At2g01140 (At2g01140/F10A8.2) mRNA, complete  
cds

ACCCCGATCCACTCACCTACCCACTTAAACTACGATTGCAAACGAACCCAACCTTTTTGATTTTGTTATTTCTCTTC  
CCATTTAGTTCCATATTAATCGTCCCCGAACCAATTTGATTCTGTGTTTTCTTTTACCCCATCAATCTTTT  
TCTCCGTTGTGCAAGCCATGGCCTCCCTGAGCTTCGCTAAGTTGAACGCTTCATCTTCGAGTGGATTGCCCAA  
CAATCTTTCTCTCAGAAGCGTGGGTCGTCTTCAGACGACGCTTTCTGTTCCGATCCGTGCTGGGGCTTACTC  
AGATGAGCTTGTCCAGACCGCGAAATCAGTTGCATCTCCTGGACGTGGTATTCTTGCCATTGATGAATCCAAT  
GCAACTTGTGGAAGAGGTTAGCATCCATTGGCTTGGCCAATAACGAAACCAACAGACAAGCTTACAGACAG  
CTTTTGCTGACCACGCCTGGCTTGGGAGACTATATCTGGTGCTATTCTTTTCGAGGAAACACTCTACCAATC  
AACCACAGATGGAAAGAAATTTGTTGATTGCTTACGGGAGGCAAAAATTATGCCTGGCATTAAAGTTGACAA  
GGGTTTGGTTCCTTTGCCTGGATCTAACAGTGAATCTTGGTGTCAAGGCTTAGATGGACTGGCCTCAAGATCT  
GCTGAATATTATAAGCAAGGTGCTCGTTTTGCTAAGTGGCGGACAGTTGTTAGCATTCTTGTGGTCTTCCGC  
TCTGGCAGTTAAGGAAGCTGCTTGGGGCCTTGACGATATGCTGCCATTTCTCAGGACAATGGCCTTGACCT  
ATTGTAGAACCTGAGATCCTTCTTGATGGAGACCATTCCATTGACAGGACACTTGAAGTGGCTGAAAAGGTCT  
GGTCAGAAGTATTCTTCTATTTGGCTGAAAACAATGTTCTGTTTGAAGGAATCCTTCTAAAGCCTAGCATGGTA  
ACCCCTGGGGCCGAGCACAAGGAGAAGGCGTCTCCTGAAACTATTGCCAAATACACATTAAAGATGCTCAGG

AGAAGAGTTCCTCCTGCAGTTCCTGGAATCATGTTTTGTCTGGAGGACAGTCTGAAGTGGAAGCAACACTGA  
ACCTGAATGCCATGAACCAAAGTCCCAACCCCTGGCACGTATCCTTCTTTACGCTCGTGCCTTACAGAACACC  
GTGCTCAAGACATGGCAAGGACGCCCCGAAAACGTGGAGGCTGCACAAAAGCACTTCTGGTGCGTGCAAA  
GGCAAACCTCCCTCGCTCAGCTTGGAAGTACTCTGCCGAGGGTGAAAGTGACGATGCCAAGACAGGAATGTT  
CGTGAAAGGATATACTTACTGAGCTTCGGTAACTGCTTTGAAACTCAAATTGAATGTGTGCTCGATTGAAGA  
AGACAAATTTCTCTTTTTCTCTATAGGTTAAAAGCCTTCCCTTCCCTTGATAGAAAGCTTTTTCAATAA  
GACCTGTGAGAAACAACTCACTGAGAGAGTAATCAAATTGTATTCTACCATCTTCTACAAGTTAAAGCTTAG  
TGTTTTGTTAGATCTGGCAAATTTGGCAAGTTTCAAATGTAGCTTTTGAGATTTAGGCATTAATATATGCAGT  
AGGACTCTTATCCTTCCAGTAAAGTGAGACCACTTTTGTGGCAATAATTATGTTTGCCAAAACATTTTAATTA  
ACTATGCTTAAGTTTTATTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCGCCCC  
CAAAAAATTAATCAACCCCCCAACCCGGGGGGGGCCCCGACCCATTCCCCCAAAGGGGGGCCAAATA  
ACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAAACCCGGGAGGGGAAAACCCCGGGTTTCCCAATTAACCCCTTT  
GGACCAAACCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAACAAAAGCCCCCCCCATTCCCCCTCCCAAATTTGC  
CCCCCGAAAGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCGCCCCATAAACCCGGGGGGGGGGGGGTAACCCGA  
AGGGGGACCGCTAAATTTGCCAGCCCCCTAGCCCCCCCCCTTCTTTTTTCC

>trans\_c\_16 NM\_121022|Arabidopsis thaliana transcription elongation factor-related  
(AT5G09850) mRNA, complete cds

GGTTTTCGTTTCATGGCGATGTTTTCTTTCAGTTTCAATATTGATTGATTCTGTGAGCATCATGATATGATGAT  
GATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGGATGGATGAGACTATCAACTAAACCACAACTCCAAAA  
GGAAAACAAAATTTCTCGACTTGGGTTTTGATTTTGAACATTCTTCTCTTCTTCTTCTTCTACCTAATGTAAATT  
GACCCACTTCCAAAATTTCCCTTTTTATTCTTTGAGGACGAAATCCGGTTGTTCTTCGTTTTCTCAAGGAATAT  
TCCGTAGTTTTTGATTTGGGTTCTTTTAATTTATTGTTTCAGTTGCTTTTTGTGTCCTTAATTTGTTTCGTGACT  
TGGGTTTCTGTAATTTTGACGGTTGTCTTCTCTCCTCCTCCTCCTCCTTCTTCTTCCAGACGGCCACTGAGAG  
TTTGATTCTGAAAACGATCGGTTAACTTTTCTTTAGGATCGAATCAGATCTATTCTATGTCATTTGGGTTTCT  
TTTCTTTTTTGTTCCTTCAAAAAATTTCTGTTAACGGATTATGACGATTTTGCTTTCCATCACTGGGGTTTCTG  
TGCAATTTCTAGCGTTTTTCTTCTCTTTGTTTATTGTGAGAGTTTGAAGTAGAATAATAAACTTCTTCTTAG  
ATCCGTTTCTGTTTCCAGAGTCCATTACTGAAAACAAGAACTACAAACGTTTTTTCTTTTTCAGATTGTTTATCG  
GGAAGATAACCTTCTCTTCTCTCAATCAATCTCCGATTCTTCAATCGGACTCCTAAAAAAATGGTTTCGGTTG  
GATTTAGATGATTTCCGAACATATATTAGATACGGCCGGCGTCGATGTTTGGACTTTCATCGATACAGCTATGGA  
AGTCGCTTCATTAGATTACGGTAACCAATTGAAGAATCGGAGAGATGGAATCGTTGAGAGGCTCTACGCGTT  
GACTTCGCCGCCGTCTCGATGTCGGAACGTGTATACGGATCGCAACCATGACGGTCGCTCTAATGGCTGTGAA  
ATCAACAGGGTTCAGGTGAGGTTAAGGGAGCTTCCCCTTCAACGCCGAGTTGCTTGTAGTGGAAGGGGAT  
GACGATGGAGCAGACCCATATGCAGGATTGTTTGATGATGAACAGAAGAAGGTTCTGGAATAAAGGAACA  
GCTCGAAATCCCTCACCAGCCTGAAGATGCTCTGGTTGAACTGCTTCAAACTTAGCAGACATGGATATAACA  
TTCCAAGCTCTTAAGGAACTGATATTGGAAGGCATGTGAATCGGTTGAGGAAGCATTCTAATGATGTTT  
GTAGATTGGTGAAACATCTTGTGAGAAAATGGAAGGAGATTGTTGATGAATGGGTGAGGTTGAATCAACCTG  
GGGAGCAAACAGCTACACTCTTAGCTGATGGCGACTCACCCAGCAAAAAGCTCCTCAAAATGGTTATCATCA  
GGTTCCTGATTTTGCATACTCTCCGAATCCACACAATGGAGGTTCTGGGTCCGATAGAAATAACTCAGAACCG  
GAACCGAAGGGGAAATCCGTTCCAAGAAGAGATGCCCCGCCGAAACCAACACAACAAGCTCCAACGTCGTCT  
TTAACTCCACAAAATAGGCAGAAAGAACAACAGAAAGAAGCAAAATTTGATTCCAAAAGCTTGATCAGCTC  
GAAAAAGGCTTCAAGAGAATTACAAAGAAGCTGAAAATGCTAAAAGGCAAAGAACAATTCAAGTCATGGACA  
TCCATGAGATTCCAAAGCCAAAGAATGCCTTCTTCTCAAAGAACAAGGCAGCGGTGGTGGTTCTCAAGGCA  
GACACTGGTGATAGATAATTTGGCAAATGCAACCCACATCTTCTAAATTAGGGTTCTCCGTTATCATCGAATGA



ATCGGTTTATCATCATCCTTTCTATTTGTTACATCTTTTGATCATTAAATTCTTAACCTCTCTATCAAGTTTAAAAA  
GAGAATCAAAAACCTACTTTTCGCGTAAATCTTCTCTTAATAAGCAATGCTATTACTGATATATTGTTAATCTACT  
GAGTCTTGAAACCTCACTGCCTGTTCTATATCATGTAAAACTCAGATAGGAAGGCCATATCTCTCTCTCCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_17 NM\_118666|Arabidopsis thaliana immunophilin-related / FKBP-type peptidyl-prolyl  
cis-trans isomerase-related (AT4G25340) mRNA, complete cds

TGACGCCCAGCGACAGCAATAAACGGGACTGTTCAAGGGTTTAAGGTAGCAGAGCAGCGTCGCCTAGGGTTTT  
ACGGAAAGCTTCATTCTACTTCAACCAATATTCTCCCCTCTGAAATGGGTTTCTGGGGCATTGAAGTGAAACCA  
GGCAAACCATACTCCTACCATTCTGATAATGTGACGGGAAAGCTTCGGATTACTCAGGCAACTTTGGGACCTG  
GCTCATCGAAAGAAAGAAGCGTCGTTCAAGTGTCTGTTGGCAACAAGAGTCCAATCTTTTTGTGCTCTTTAATA  
CCAAATAAGATTGAATCATGCCCTTGGATCTTGAGTTTGAGGAAGACGATTTCGATAGCCTTCTCAGTTATTGG  
TCCACAAAGCATTTCATCTTTCTGGTTATTTGTAGCCAACGAGGGACATGTCATTGGTGATGACACTGAGTCTG  
ATTCTTTTGGGAGGACATTGCAGAAACAGATACTGAGGATTCATCAGAATATGATACCGGAGATGAATATG  
ATGATGAGTTCATTGACGATGATGACGACTATCCTGGGATGTACTCAACTTCACCTGTTCCCAAAAGTGGAGTT  
GTAATCGAGGAGATAGTTGATGATGAGAAATCCAACGATGCCAATGGTCAAGCTAAAAAGTAAAGAAAAAT  
AAGTCTAGTGACTCCGAGGACATTAGGAACTCTCAGCGTCAAATTGTGCTGAAAAGGAATGTGGAAACTGCT  
GTTTCAGAAAGTGAAGATGAAGATGGATTTCGAATTCCTACCAAAGGCAAGAGCAAAGCGAATATTCAGAAA  
CTAGAATCAAAACAAGAGCAAAAAAGCCCGAGTACTGAGGATGTGAAAGGAGACAAGGCAAAAGATGGCAA  
TGATGTTTCTAGCTTAAAAAGAAAAGTTGAAAACGATGAACAAGTTGATCATATGGAAAGGAAAAAGAAAAA  
GAAGCAGAAGAAAAAGGTAAAGATGAAAAAGCTGAGGAAACTCGTAATGATGGTGATATGGGGAGTGAA  
AAGCAACAAGCAGAAGATGACAGTGCAGCTACTAATCTGATTTCTGATGGAGATGAGAAAGATAAAAAAGATA  
TCTGAACAGAGGGATGCCTCAATTCACCAAAGGTTGTGGATGGTGAAAATCACAAGGAAGATAAGCAAAAA  
AAGAAGACAAAGAAGAAGGGAAAGAAGAGCAAGGAGGCTGAAGCTGGATCAAAATCTGATGAGCTAACTA  
AAACAGCAGGTGATAGGATTGAATCAGCTTTGGGATCAAAGAGAAAGGAAAACGAATCCAAACCATCCCGCG  
TGAGAACCTTTGCTAATGGGTTGGTTATTGAGGATGTAGCGATGGGTAAACCAGATGGTAAAAGAGCTTCAC  
CTGGAAACATGGTTAGTGTTCACTACATTGGCAAGCTAAAGAACGGCAAAATATTTGATAGTAATATTGGAAG  
GGCACCATTCAAATTCGCTTAGGTGTGGGACAGGTTATTAAGGGATGGGATGTCGGGGTTAATGGTATGCG  
AATCGGGGATAAAAGGAGATTGACAATCCCTCCATCAATGGGCTATGGAGATGCAAAAATTGGGAGGATTCC  
GCAGAATTCATGGCTTACGTTTGATGTTGAATTGGTTGGGGTCCCTGAATGCATCAATCTTCCACTCTTCTTT  
CTTGCTTACTTCTGATGTTGAATTGGTTGGGGTCCGCTGAATGCATCATCTTCTTCTACTCTTCTGCCTCAAA  
AATTTTGCTCCTATACATCCACACACATATTTCTAACTTCAATCTCAATTTTGTATTTTAAATTAATACGTGCAC  
TTGATTTTTTTGAGTCAACGAACTGAATCATAACCTTCTGAACCTTTGTGTGCATTATTAATGTTGATCAGAAAA  
TTACTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCC  
CCAAAAATTAATCAAACCCCCCAACCCAAGGGGGGCCCCGGACCCCATCCCCCTAAGGGGGACCGAAAT  
ACCCCGGCCCCGGGGCCCCCTTTTAAAACCCCGGAGGGGA

>trans\_c\_18 XM\_002888097|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DC1 domain-containing protein,  
mRNA

GTTCTTGAAATTGTAGGACTGACCGCTGACCACAGCGAAGAAAAAGTCTTCTTTGTCTTTAACCTTAAACA  
AACACCGATCATGGCCGCTCTCGACGGCGCCGTTCCCCATCCCCATTTTCTTCACGCTCTCTCCGTTCTGAGAC  
TCAGAACTACCTTCTCCGCAATAATGGCGAAAAGGTTGAGATTGAGATGCTAAAGGGAAAAACTCTTGGCTTG  
TACTTTTCAGCAGCTTGGTGTGGCCAATCTCAAAGATTCACCCCTCTTGGTGGAAGTGTATAATGAACTCTC

TTCTAAAGCCAATTTTGAGGTCATTTTGTGTCAGCTGATGATGATGAGAAGTCTTTTAGAAAATATTTCTCTAA  
GATGCCATGGCTTGCTGTCCCATTTTCGGATTAGAGAGAAGGGATCATTTGGATAGCTTGTTTGAAGTGAGG  
GGAACACCCCAACTCATAATCCTTGATAAGAATGGGAAATTTCTACTGATAGTGGAGTCGATTCGTAAGT  
AATTCGGAGCTGAGGGGTATCCTTTTACGGTGGATAAAATCACTCAATTGTTGAACCAAGAAGCAGTAGCCAG  
AATGAATGAATCCTTGAGATCTATCATGGTCTCTTCCTCACGTGATTTTGTAAATAACATCTAAAGGAGAGAAA  
TACCTGTAGCTGATCTTGAAGGGAAGGTAATAGGTCTTTATTTTCGTTGTCTTCATATGAACGATGTATAGCT  
TTTACACCAAAGCTTGTTGGATGCTTATGAGAACTGAAAGCGAAGGGGGAGAAATTTGAAATTGTGTTGATA  
GCCATTGATCAAGATGAAGAATTGTATAAAGAACTTTGAGAAACGTTCTTGTTTGCATTACCATTACAGAG  
ATAATAGATGTGATAAGTTGATTGATCTATTTTGAAGTTTCGACACTACCCACCTTGGTCATAATTGGACAAGAT  
GGAAAACTCTCACTCTAATGTTGCTAATGCTGTGCGAGAACACGGTTTTCTACCGTATCCATTACAGAAGA  
AAAGTTTGCAGAGCTTGCAAAGATTGAAAAGGCAAAAGAGGAAGCTCAAACCTCTCGAGTCGATTTTAGTTTTG  
GGGAGCATGATTATGTCATCAAGAATGATGAAACCAAGATTCCGGTGTGAATCTGGTGGGTAAGAATCATC  
CTCATCTACATCTCAGCAGATTGGTGCCCAACCATGCCGTGTATTTCTACCAAACTGATTGAAACATATCACAA  
TGTAAGAAGAAGGATGACAATCTGGAAGTAATCTTCATTTCTTGCATAGGGATGAGTCATCGTTCAAAAAT  
ATGTTCTCTAGAATGCCATGGTTGGCTGTTCCATTTGATGACCAAAGGAAAGCATCAATAAGGCGTAAATTCA  
AGGTTCAAGTGGAAGGAATGCCTGCACTCATTTCTATCGGAGAAGATGGGCGCACTGTGACAGATGATGCTG  
TTGAACCTATTTCAAATTATGGTGCTAAGGCTTATCCATTCAATGCTGGTAGAATTGAAGAGTTGAAGTTAGAA  
ATTGAGGTGATGGCAAAGAATTGGCCGAGGAGGTGAAGCATATACTCCATGAAGAACATCCAACCTTCACTT  
GTGTCTCGACAAGGATATGTATGCGACGGATGCGAAAAGGACGGGCGTTTATGGTCGTAAGTCTGCAAGAAG  
TGTAACCTTGATCTCCATCCAGGTGTGCTTTGGAAAAGAGACCAGAAAACCAAGATGAGACGGAAGCATGG  
AGTTGTTGTGTTGAAGTTTACTCCATTCATGTTGAAAAAGTCTGCACACTTCCCTACTCAACTTTTGTTTGT  
CGAGTACAATAATTTACCATAATTACAAAGATAGGATATTGAACCTCGATTTCTAAATAGCTTTTACTAGAGTA  
GGGAAATATGTCGATTTCCCTTGAGCTAAGGTTACTGAATTAGACAACCTCGACCTTGTATATACTTTTGGTTTT  
TTCTTACATATCTTATTCTCTCTTTTGAAGATTCCACTTCTCTTTATGTATATGAGTAAAAACCTTTACTTTTCTAG  
TATTTATATTTATATTTAAGATTTCGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_19 XM\_002881393|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata inosine-uridine preferring  
nucleoside hydrolase family protein, mRNA

ATGAAAAGGGTACGAACAGAAGCAGAAGCAGATAAAGTAGCTTTTGGGTTCCCTTTTCATTGCAATTTCCGAT  
CGAAATTCTTTTATTCGATCTCACACAAACAGAAATTTGATTGGGATTTTACCATTGTTAATCTCGTTCTGTTT  
GTCTCTATCTTCCGCCCGCTTTTTTTCATCGTCATCTTCCACCTAACCAAAACCCACTCCAATCAATTCTCTATTAT  
ATATTCTTTATCACTAAACAATCGGAAACACCTCGGTTTCCTTCATCCATCGTCAGCTTCTTCTTCTTCACT  
TTCTTGACTAATTCTTTTATTAAATCCCTAAATCCCATTTGTTTACACCCATTATCTCCAATTTTATGTGT  
GTGTGCGTGTCTTTCTTTTCTTATAGTCACGCGCACATACGTATTTGATTTCACTTCTTTCGTTATCCCAATATT  
TACCCTTGTTTCAAGTTTGAATTTTGGTACCAGATATGGCGGATTTGAATGGTGAAGCAGACATTTTGAATTCT  
TCTCCACAGCTGGAGAAGCTCATTATCGATACCGATCCTGGAATCGATGATGCCATGACTATCTTCATGGCATT  
TCAAAGTCCAGGATTGGAGATCTTGGGACTAACTACAGTTTTTGGCAATGTCTTCATTGAAGACGCGACGCTT  
AATGCCTTGCTTCTGATAGTGTGAGATGGCAGGCCGTTTCGGATGTTCTGTGGCTGAAGGCAGAGCTGAACC  
CCTGAAGGGTGGAAACACCTCACATTGCTGACTTTGTACATGGTTCTGATGGACTTGGGAATTTAAATCTACCAT  
CTCCAAGTACGAAGAAAATTGAAAAATCTGCTTCTGATTTTTAGTTGAGACGGTTTCTCAGCATCCTGGTGAA  
GTATCTATACTTGCATTTGGGCTCTCACAACTTGGCTCTGGCAATCAAATGGATTCTACCTTTGCCAGCAA  
GGTGAAAAGGATTGTTATACTTGGTGGTGCTTTCTTGTCTAGGGAATGTGAGCCCTGCTGCTGAAGCAAAT  
ATCTATGGAGATCCAGAAGCAGCAGATGTTGTATTCACTTCTGGAGCAAACATTGATGTGATTGGGATAAACA  
TCACCACACAAGTTAACTTACAGATGACGACCTCCTGAAATAAGGGAATCCAAAGGAAAACATGCTCAAGT  
CTTATGTGACATGTGCAAATCTACAGAGATTGGCATGTCATGTCGGACGGGTTTATGGCATCTTCTCCATG

ACCCTGTTTCATTTGTGGCTTTAGTTCGCCCCGATCTCTTTACATTCAAGTCTGGTGTGTGAGAGTTGAAACTC  
AGGGAATCTGTGTAGGTCATACATTGATGGATCAAGGAATCAAGAAATGGTCTGGAAGCAATCCCTGGACAG  
GTTATCCCCAGTGTCTGTAGCATGGACTGTCAAAGTGGATGAAGTCACCAAATACGTTAAGGATCTATTGAA  
GAAACCGTGAGTGTGAATGTTTAATTGTTAATGAAATGTCACAAGCAAAGCAATCTTTGTTTGCTGATCCTTT  
TTTCTTTTTTTTTTAATCTTCCCCTTTAGAACTCTCATTTGCAGATAGTGGAAGCATATAAATAACTAAAT  
CTCAATTTGATCAACCTCCACTTCCCTTGTGGATGTTTGAACAAACATTCTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTTAAACCC  
CCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCAAAAGGGGGTAAAAAACCCCCCCCCCGGGGGCCC  
CTTTTAAACCCCGGGGGGGGGGAAACCTGGGGTTTCCCAAATTTAACCCTTGAAAAAACCCCTTTTC  
CCCGGGGGGGAAAAAACAAAAAGCCCCCCCCATTCCCTTCCCAAATTTCCCCCCCCGAAAGGGAAAGG  
GGAACCCCTGTAACCGCCCCTAAACCGCGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_20 AF095520|Citrus X paradisi pyrophosphate-dependent phosphofructokinase beta  
subunit (PPi-PFKb) mRNA, complete cds

CCATCAGTTTCCCTAGTCATCGTGCTTCTCTAGTCACAATGTCAATTTCTTTCATCTCCAATGGCGAAGCCGCC  
GTCAAATCCAATTACCCGCCGCTCTCCGGACGGGTCTCTCAGTGTATAGCGAAGTCCAGTCCAGTCGTATCAA  
CCACAATCTGCCTCTTCTTCTGTTCTCAGAAGTTCCTTTACAATCGTCGATGGACCCCTAGCTCTGCCGCTGG  
CAATCCAGACGAGATAGCCAAGCTATTTCTAATCTTTTCGGCCAGCCATCGGCAAAATTGGTGCCAAGCGAT  
TCCAGCAAAGGTCAACCGGACAAAAAGTTGAAGATTGGCGTCGTGTTATCTGGTGCCAGGCCCCCGGAGGA  
CACAATATGATTTCTGGAATTTTTGATTACTTGACAGGATCACGCCAAAGGCAGTGATTATATGGCTTCAGGGG  
TGGTCTGCGGGGATTATGAAATGTAAATATATTGAATTGACTTCAGAATATATTTATCCATACAGAAATCAGG  
GTGGGTTTGATATGATATGCAGTGGGAGGGACAAATTGAACTCCAGAGCAGTTCAAACAAGCTGAAGAAA  
CAGCGAAAAAGCTTGATTTGGATGGGCTTGTTGTTATTGGTGAGATGATTCCAACACGAATGCCTGTCTTCT  
TGCTGAAAACTTCAGAGGTAAAAATTTGAAGACCCGAGTAATTGGTTGCCCAAAACAATTGATGGAGATCTA  
AAATGCAAAGAGGTGCCCACAAGTTTTGGATTTGATACAGCTTGCAGGATATATGCAGAAATGATTGGTAATG  
TCATGATAGATGCCAGATCAACTGGAAAATACTATCATTTTGTCCGGCCTATGGGGCGTGCTGCTTCACACATC  
ACCCTAGAGTGTGCTTTGCAGACTCATCAAATATTACTATTATTGGGGAAGAGGTTTATGCCCAAAAGCAAA  
CACTGAAAAGTGTTACAGATTACATAGTAGATGTAGTCTGCAACGTGCTGAACTTGGTTATAACTATGGTGT  
TATACTTATTCCTGAAGGTCTGATTGACTTCATCCCAGAGGTACAACAACCTATCGCAGAGCTAAATGAAATTC  
TGGCCCATGATATAGTTGATGATGAAGGATTGTGGAAAAAGAACTCACTAGTCAGTCTCTTGAACCTTTTGA  
GTTTTTACCTCAAGCAATCCAAGAACAATTGATGCTTGAAAGAGATCCACACGGAAATGTTTCAGGTTGCTAGA  
ATAGAAACAGAGAAAATGCTTATTGATGGTAGAACTGAGTTGGAGAAGAGAAAAAGCGAAGGTGCTTA  
CAAAGCCCAATTTAAAGGCCAATCTCACTTTTTTGGATACGAAGGGAGATGTGGTCTACCAACCAATTCGATT  
CCACATACTGCTATGCATTGGGTTATGGTGCTGGAGCTCTCCTGCAGAGTGGAAGACTGGACTAATATCATC  
TGTGGGGAACCTAGCTGCTCCTGTTGAAGAATGGAAGTGTGGTAGGACTGCTTTGACTTCATTAATGGGCGTG  
GAGAGAAGACATGGCAAGTTCAAGCCGGTGATTAAGAAGGCAATGGTCGAGCTTGATGGGGCACCTTCAA  
GAAGTTTGCCTCATTGAGGGATGACTGGGCATTCAACAACCGATACATTAGTCCTGGTCTATTCAATTCGTG  
GGTCTGCATCAAATGCTGTTAATCATACTCTCCTTCTGAACTGGGAGTCGAAGCTTAAATTTAACCCGAGC  
TGAGTTTTGATTCAAATTTTATTCATGAGGAAGCTTTCTGGCCGTGTGATGGAATTTTTTATGTGGAAGAA  
CACTTATTAATCTTCAACCCGAGGAGACACCGGCGATTATGTATTGTCTCATAATCATAGATAACCATGGAGAT  
GGTAACTTCAGCTTAATTAGCATTTTCTCAGTGGTGTGTAAGGCGTTGATTAAAATTGCCGATGTTTTGTGG  
AATAATATGGGTTTTGTTAGTTTGATGGGAACTCATTCCGATGACTATTACGAAATTTGAAGGATAAGGTTGC  
CCATTTATGAATAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_21 XM\_002878573|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphofructokinase family protein, mRNA

ATTGTTCAAAGTTTAGTTCTAGTTCGTATCGGACTTCGAGTTCGTCTCCTCTCTTTTCATACTGACAAACCAATTC  
CGTATTAAATTACCAAACCTCTCTTCTCAACCTCGAATTTCTCACTTCTTCAATTTGACTTCTCTCTCAATTCCT  
CTAAACCGGGACCTTTTTCTTCCCTTCTTCTCCCCGATCGCCGTTTGATGGGTTCCATCTCGCACGCGATTCTTCC  
CAAACCTCGCTTCCCATCACCAACTTCTTCACTCTTCTCCAATGTACTTTCCGGTTTCAATGGCGATAAGTGT  
AGTCTCAGTTCGAGGAAGCATTCTGGAAGAATCTTCGCTCTCTTGATGTTAAGGATGGACGCAAGAACACCG  
CCATTGATTTTAATGATCCCGATTGGAAATTGAAGTACCAGGCGGATTTGAAAAACGCTTCAATCTCCCCAC  
ATTACCGATGTTTTGTAGATGCTCTTCTTCTTCTACTTTTTGCCTCAAGATGAGGACACCGTTTCGGAC  
GTCTTCGCTGGAGGGTATCCGTCGGATGAAGAGTGGCATGGATACATAAACAATAATGATCGCGTACTTCTCA  
AGGTCATTAATTACTCATCGCTACGTCCGCGGTGCTGAGTGCATTGACCCCAATTGTAATTGGGTAGAACAA  
TGGGTTACCGTGCTGGGCTCGAGAGAAAAATACTTCAAACCAGAAGAAGTGAAAGCAGCAATTGTGACT  
TGTGGAGGTCTCTGCTGCTGCTAAATGATGTTATCAGACAGATTGTAATCACACTTGAAATTTATGGTGTAAA  
GAAGATAGTTGGGATTCCCTTTGGATATCGTGGATTCTTGACAAAGAACTGACCGAAATGCCTCTGTCCAGG  
AAGGTGGTTCAGAATATTCATCTTCTGGTGGAAAGTTTGTTAGGAGTTTCCCGGGGAGGTCTGGCATTGACG  
AAATTGTTGACAGCTTGCAGGAAAGAGGAATTGATATGCTTTTTGTTTTGGGTGGAAATGGCACACATGCTGG  
GGCTAATGCAATACACAATGAGTGTGAAAAAGACGGTTAAAGGTGGCTGTGGTTGGTGTTCAAAGACTAT  
AGACAATGACATCTTATTGATGGATAAACTTTGGTTTTGATACTGCTGTTGAAGAAGCACAAAGAGCAATA  
AACTCCGCCTACATTGAGGCACATAGTGCTTATCATGGAGTTGGCATCGTAAATGATGGGTGCGCAGCAGTG  
GATTTATAGCAATGCATGCTGCACTTGCTAGTGGGCAGATTGATGTATGCTTGGTTCCTGAGGTACCTTTCCAA  
TTACATGGCCCCCATGGTGTCTACGCCATATAAAATATCTGATAGATACAAAGGGGTCTGCTGTGGTCTGTGT  
GGCTGAGGGAGCAGGACAGAATTTGCTGCAAAAGACAAATGCTACCGATGCTTCTGGGAATATTGTACTGAG  
TGATATTGGCGTATACATTCAACAAGAGATGAAGAAATACTTCAAGGAGCTTAGTGTTCCAGTTGATGTGAAA  
TATATTGATCCGACATATATGATACGTGCTTGTCTGTGCAAATGCATCTGATGGGATTTTGTGTACTGTATTGGG  
GCAGAAATGCAGTCCATGGCGCATTTGCAGGATACAGCGGTATCACAGTAGGAATCTGCAACACACATTACGT  
ATATCTTCCATTCTGAAGTGATTTCTGATCCCAGATTGTTGGACCCAAATAGCCGAATGTGGCATCGATGTC  
TAACTTCCACAGGTCAACCTGATTTTATCTAATCATCCTCCTTTAATTTATGCAAGAGGAATGAGGGAGCAGGA  
AGGTAGCTTCAGTTTCTTTGTTTTGTTAAGTTAGGGCAAGGGTTTAGTAGAATAAATAATGGCGAGAGGAAA  
ATGTTAAGTGTATAGCATTAGTACTTGTGAAGATTCATTTATAATAAAGAGAACATGGAGGGGAAAGAAACC  
AAGTTCTGTAGCTTTGTTGCATAATATTTATTCATTGTATCTCCGAAAGAGAAACATTGGTCATGTTATTATTC  
TTTCAGAAAATGCAATTANCAAGAGGACTCATTTGATT

>trans\_c\_22 NM\_103072|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein (AT1G33470) mRNA, complete cds

CCAACAACAACCTTTCCCTCATTATGCCATCCAGCAAGGGATCCCTTACAATCTCTATGGGTACTCTTCTTATTGG  
CCAGACTACACTTACCCTACGAGCTATTACAATGTGTACGGCGGGGCAACTGCACAGTACCCCATGTACGGGA  
CGGGTCCGGGCGGCATATTGAGCGGAGCAGCAGCAGCAGCGGCGGCGTTCTACCCGTATTTCCAATTCGGGG  
AAGGAAGCGGTGGCGGCGGTTCCGGGCAGCAAGGGTATGGGGTTCAGTATCCTCACCATCTGTTTCAATACT  
CGGCCGCGATTAATTCAACTGCTGCAACAACCTTTCCCTCAGCATTATGCTGCTCCTCCCATGTCTTCTCTCCA  
CGCCCCCACTTTGCCATCAGGCGTGACCATGGCTCTTCTGCACCAATTCCGCATCGTTAGAGACAACATATA  
ATCTCTCATCGCCGACCTCGAATTCCTCCAATTTGTCTTCTTCAATCAAACCAACTCAACCTTCGCCCTAACCAT  
GGTTCATCCCTTTTCTCTTCACTCTAACTCACTCATGCCTTTAAGGCCAATCTTAGCCCCCATAGGGGCT  
AACCTCAAAACCAACCATACCAATTCTCACCTCTCCAAAATTGGAGCAAAATCATGCATTTCCATTGTTATTCA  
TATTAATTAGGGTTTAGTGAAGAAAAACAAGTGAAAATGGTTCCTTTTATCAAGAGAACCAAAACCCACTTTG

TGAAAAATCCCAATTTAGGCCATCAAGGGAATTGGCCTCAAATTGGTAATATTTGCACATAGCTTTGTTTTTTT  
GTTGATCTTCAAAGCCTAGAAAAGGCTTTAAAGATTTAACCCAAAAAACAAAAACATTTTACAAAAA  
AAAAAATTTGTATATTTATCCTAAACACCACACCCCTCTTTTCTCTCCATCACTTTGAAAAATTGGA  
ATTGAAAAAGGCTAATATTTTCTCATCATCATTTTGTAAATTAACCTTTAATTAGGAAGTAAATTAAATGGAA  
AAATTTTCAAGAAATTGGTGAGGCTATGGCTGCCCCACCTCTTTCTTAAAATTTGTAGATTTTCTTTTCAA  
ATTAATCACCAATCTTTCAAAATATTTTCTCTCTAGGGCTAGTGGATAATTTTCATTATTTTTTTTTTTTAC  
AAATTTAATTTAAAAATAGTTTGGTCTAATCAACCAACATTATCTTTAACACATTATTTCCCTGGGTTAGGGGA  
ATAATACCTTAATCTCTTTGATTAATTAACCTTAATTAAGCACATTAGTTAATTTTCTGTGTAAATTAAGTTT  
TCATCAACAATCATGGTTGAACTTATGGGAGTTTACAACCATGTTATTTTTGAAAACCAACCACAAATATT  
GCATTTGGTTTAACTTTTTTTCTTTTTCTTTGGTGATTTAGGTTATTTTATAATTAGAAATTATAATTAGGA  
TAATTAGGATTAAGCATGTCATGAAATTTGAGATATTCCATTAATGGATATTGGAAATCTCAAATTAAGCA  
TTTTGCATATTAGCCCTGGGAGATATTGGGTTCCCTTTGGCTTTTTTTTTCTTTCTTTCTTTTCTTTTCA  
AACTAACCAACCAACCAACCATGGTTAGGACTTAGGTCAACTTCATTTCTCTCTATCTTTTCTTACCCCAT  
CTTCCATTTTACCTTTTTTTTTCTTTTCAATTCATCTCTTCAATCATCCATCCTTTTATTTTCTGTGGTTGTGTG  
TTCAAGCTTAGCACTTTCTTCTTTCATGGAGTTGGTGAACTTGGAACACTTTTTTTTTTAATTAATTATGTT  
TGTAAGAAGAGCCTTTTTTCAAAAAAATTGTCCTTTTTTATGGTTTGTAAATGAATTAGATGGTT  
TAATTACTACCTTTTTCTTTTTATGTTAAGGACTACTTTAATTCTCTACTAAGATCCATTAAGTTCTTCATT  
AGTTGCATGCTCCTAATTTGCAGCTGCTTGAAAATATAACATCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_23 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete  
sequence

ATCAACTTCCCCCTCGCGTGTGAACCTCCACGGTTCGCCTTCGTTTCCGTTCCCTCCGTGCGGTTTTCTTTGA  
CCGTGCGACCTCTCCGAACAGATCCGTCTCTGTTTCTTCTCTCGCAGCGGTGGAATAATCGTGTGTGCAGA  
GACAGAGCAGTTTGAAGAGGACGTGTATGTGTTCTCTACAACCTCACCTGGCTCGTTCCGGTGTAGTCTCCA  
TAAAGGTATAATTTGCAACCTCCTGCTCTGTAATCGCCGAGTAGGTTGAATGCTCGTAGATCGGCGATGACG  
AATTCTCTGTTAGAATTGGAGGCGTTGAAGGTGATCTCGTGAAACGAGCTCTAGCGGCTTTGATTCGACCTT  
CCTCTCATCAGCAACGTCGTCGAGTTGATTTAGGCCAAAACGTAGCCGGCTCTCGATTATGTCCAAAGCCGAT  
GAAACATTATAATCCTTTCGGTATGTTGAAAATTGAAATGCCTAATCTATGAATTTCCGGAGATAAGACAGAC  
AGACGTAGTTCTTCTAATTCTCCGGCGGCGGAGTTGTTGACGGGGCTATCTTTCTCTCCGGAGACCGTTAC  
ACACATTCATTCATCACTACAGAACTCTGAAATCTCCTTTGTACAAATTAATATTTTATACAGATTACTGGATG  
TGAAATTGTTTGTGTTGTCGCAATCGGCGTTCCGATCAGACCTAAACTGAGAGTAATTGGAGAAATGGATC  
ACAAATTTAATGAAATTCACATGAATTTAAGAATTAGGGTTTGAAAAATCCTCCATTAGCAGTTTTGCATTCCG  
TTATCTCCACCGTTTGGTTTTACGGTTTCCGTTTCGATAAGCATAAACAGCGTTAAGATGGCGTTTGGTTTGTG  
CTTTGTGGCCTTTTTCTTTATGTGTGTGTGTGTGTGTATATATATTTTACCTTCTCGTGTTTAGAAATGTTTGT  
TTATTTGTTTTAATGTTTGTGTTTTGTTTTTGCAGGGATATGATTGGATTGATTCTCGGCAGCCATGGATGTG  
GATTCTTATTATTGTTTTAGCAACAAATACTTCAAATGGAGATTTCTTTTTGTTTTCTTAAATCTTCACTTGC  
CTTTATGTTCTCTAACATCTGTTTTGGTCTTGAATTTATTTGTTTCTTAGAAAGAAATTTACATTTTTT  
GTTGATAGTAAATCTGGTCCCTTATTTTTAAATGTTATTCTTTAATGATTCTAGAGGAAATTAATCAAAGTTT  
TGAAGAATACGGTCTTAGTTTTGAAATGGATCTTTTTCTTTCTTTTTCTTTTTACTTTTTCGAGTGAACCGA  
TCCTGAGTTTTCAATCTATATTTTAGTTTTGAGGTTTCAAATTTGATTTAAATGGATGAACTATTTAGGAA  
TAAGGTTTTGTGTTTCTAGTGGTATTTTAGGGGTTTTGAAAAATGTAACACACCAATATATTTTGAAACGG  
AAAAAGTCTACGCCACGTTGGAACAATATCTTTTTATTTGTTGAGGTTTAAATTTTTATTTTTGGTATGG  
AATATTTAGAAAAATAAATGAGAAAAAATGTAAACGAATGGAAATTTTGAATATTTAAAGAAATAAAT  
GGAAAAAAGAGATGGGAAGGAAGTACATATTTAGAAAAATAAATAAGACGAAAAAGAGACCACTT  
GGAATATTTAGAAAAATAAATAAGAAGAAAAAGAGAACTTGAATATTTAGAGAAATAAACGAGAAGAA

AAAAGAAATAAATTA AAAAGAAAAATAAAAGAGAAAAATAAACTAAAAGAAGGATAAATTGGAAATGTTT  
AAAGAAAATAATTGAGAAAAAAATTATATGAAACGGAAGATCAAATTTTAAATATTTAAAAAATATGGTCTCT  
TTCATGTGATTTTTTTGTTTTGTTAGATTAAATATTTTGATATTTGGTGTATTTAGGAAAATTATTTTTTCTATTA  
GCCTTTGATCAAATATTTACGAAATTATTTGAAAATGAAAAAATTATATAGTACAATTTTGAAATATAGT

>trans\_c\_24 NM\_001054305 | *Oryza sativa Japonica Group* Os02g0686400 (Os02g0686400)  
mRNA, complete cds

ATCAGTAGCCGCCTTCACTGACCGAGAGACGCCGTTTTCTCTCTTCCATTTTCCTTCAAAACCCCTCAATCTCCCTT  
CTCATTTCCATATACTCCAACCATGTCCGCTTCATCCCAAACCTCCGATCGACGAGCCGCTTTCTGCCGGCGATGA  
ATCTTCAAAGCCGTCAGCAAGAAAGCCGCCAAGAAGGAGGCTGCAAAGCTAGAAAAGCTCCGCCGCGGCCA  
AGAAGCAGCTGCAGAATCTGCTATTTCTGTCTCTCAACGTCGAGGACGATCCGCTTTCCGCTAACTATGGCGAT  
GTACCACTCTCCGATCTCCAATCAAAGGAGGTTAAGAGTATTGAAAACCTGGACTCAGGTTGGCTCTTTGACGC  
CGGAGCTTAAAGACAAGTATGTGATTCTACGGGGTCTGATTACAGACGATTCGTGCTGTTGGGAAGAAGATGG  
CGTTTTTGGTGGTGAGAGAAAAGGGATTACCGTGCAATGCGTTTTGTCGGAGCAGCCGGAGCTTGTTAGTC  
GCCAGATGGTGAAGTATGTTGATGGATTGAGCCGTGAGTCCATCGTTGACGTTGAAGGAGTTGTGTCTGTGC  
CCAATGTTGCCATTAAAGGTGCTTCCCAACAGGTGGAAATCAAGTGAGGAAAGTATATTGCATCAGTAAGGC  
AATGCCGACTTTGCCTATAAATATCGAAGATGCTGCCCGTAGTGAAGCTGAAATTGAGAAGGCCTTGCAGGCT  
GGTGAGCAACTGGTACGTGTTAATCAGGATACGCGTTTGAACCTACAGAGTCCTCGATATGCGGACTCCAGCTA  
ATCAAGGGATTTTTCGCATCCAATGGCAAGTTTCAACGATGTTTAGACAATTTCTGTTGGATGAAGACTTTGTT  
GAAATCCCACTCCAAAATTGATTGGAGGTTCTAGTGAAGCGGCTGCTTCTGTTTTAGGTTGGATTACAAAG  
GCTAACCCGCTTGCCTGGCTCAGTCACCTCAGTTACATAAGCAAATGGCGATCTGTGGTGACTTTGGGCGTGT  
ATTTGAGATTGGTCCTGTTTTTAGAGCAGAAGACTCGTACACACACAGACATTTATGTGAATTACAGGACTTGA  
TGTTGAAATGGAGATCAAGACTCACTATTCTGAGGTCATGGACATTGTGGACCGTTTGTGTTGCAATGTTTG  
ATAGTTTGAATGAAAGATGTAAGAAAGCGCTTGAAGCAGTTGATAAACAGTATCCCTTTGAACCTTTGAAGTA  
TTTGCGAAAACTCTACGACTTACATTTGAGGAAGGAATTCAGATGTTGAAGGATGCTGGCGTTGAAATTGAT  
CCTCTTGGGGATCTTAATACAGAGGCTGAGAGGAAATTGGGACAACCTCGTCTTAGAGAAATATGGCACGGAA  
TTCTACATTCTCACCGCTATCCTTTGGCTGTTAGGCCATTCTACACTATGCCTTGCTACGATAACCCAACCTTACA  
GTAACCTCATTTGACGTCTTTATTCGAGGGGAAGAAATCATTTCTGGGGCCCAGCGTGTGCATGTGCCAGAATT  
TCTAGCTGAACGCGCACAAGCATGTGGCATTGACGTAAAAACAATAGAAACATATATTGATTCATTCAGATAT  
GGTGCCCTCCGATGGTGGACTTGAGTAGGTTTGGAGCGCGTGGTGATGCTGTTTTGCGGTTTGAATAAC  
ATTCGCAAAACATCGTTGTTCCCTCGTGATCCACAGAGGATTGCTCCTTAGGCATTTACAAGTAACACTGCAA  
TTCCAGTTTTTGAATATACATTTTGTGCTTCTTTCTTTCTTTCTCCCTTCATAGGAAAGGAAAAACAACAAAT  
TTCTGATCTACTGATTATTATGGTTTACTGAATAACAATTGTTTGTGTTTTCATCGTTGCAAATCCAAGTTTGCTT  
TGAACAATCGTTACTTCATGTAGATTTTTATTATAGTTTTTCTTTGTTTGAAATTGATAATTTGACAACTTCTCCA  
AGTCAAACCTTTGTTCTTTTTGGGTAAAAATCGAAGAACTCTTCGACAAAAA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_25 NM\_113237 | *Arabidopsis thaliana* ckl10 (Casein Kinase I-like 10); ATP binding /  
kinase/ protein kinase/ protein serine/threonine kinase (ckl10) mRNA, complete cds

TCCCCAATCATCCAACTTTTGTTTCTCATCCATTTTCCTTCATTTTCTCGCTTCCTTTTCTTCACTCCGTCAAATC  
CACCAAATATTCTCCTCTAATCCCCCAACAACTTCATCTTTCTCAAAAACTCAGATCCGAAGATCTCAATCTC  
AGGAATGTGTGTTCTCACCTTTTTATTACGGATGGTGTTCGTCGTTTGTCTGCGTGATTTCTCGTTTTAATGGA  
ATTTCCGATCATTTCCATCATCTGCCTGGAAGGTGTGGATCAGAGATTACAGAGGCAGTGTTTGATGATTTGAAT  
TAAGAATCGACGCTGTACTTGATTGGGAAAGGAATTGTCTGAAGAGGAAGCATTTTTGTGGCATTTTTTTTG

TATGGTGGACTAAATTTTGAGTTGATTGATATATCAAGGGAGAGCTTGGTGGATTAGTTAATTAGGTCATGGA  
GCATATTATAGGTGGGAAGTTTAAGCTTGGAAGGAAGATCGGTAGCGGATCATTTGGGGAACCTTTATTTGGG  
TACAAATGTACAGACAGGAGAGGAAGTGGCTGTGAAGCTGGAATCTGCAAAGACCAAGCACCCACAGCTTCA  
CTATGAGTCAAACTATACATGCTTCTTCAAGGAGGAACCGGTATCCCCATCTCAAATGGTTTGGAGTTGAA  
GGTGATTACAATGTCATGGTTATTGATCTCCTTGGGCCAAGCCTAGAAGATTTGTTCAACTACTGCAATCGGAA  
ACTGTCCTTGAAGTCAGTTTTGATGCTGGCAGATCAGTTGATAAACAGAGTTGAATATATGCATTCACGGGGT  
TTCCTTCATCGTGACATAAAGCCGGACAATTTCTAATGGGGTTGGGGCGAAAGGCTAATCAGGTGTACATCA  
TTGACTATGGTCTTGCGAAGAAGTATAGAGATCTTCAGACACACAAGCATGTACCATACAGAGAAAATAAGAA  
TCTCACGGGAACTGCTCGCTATGCAAGTGTCAATACTCATCTTGGAGTTGAGCAAAGCAGGAGGGACGATTTA  
GAGTCACTGGGCTATGTGCTGATGTATTTCTTAGGGGAAGCCTTCTTGGCAAGGACTGAAGGCAGGGACT  
AAAAAGCAAAAATATGATAAGATCAGTGAAGAAGATGCTTACTCCAGTAGAGGTCCTCTGCAAGTCATATC  
CATCAGAATTTACATCCTACTTTCACTATTGTCGGTCACTGAGGTTTGAAGATAAACCTGATTATTCATATCTGA  
AGAGATTATTCCGAGACCTTTTCATCCGTGAAGGATATCAATTTGACTATGTATTTGACTGGACTATACTCAAA  
TATCCACAGATTGGCTCCAGTTCAAAACCACGACCTAGTGGAAAACCAGGTCACGCCCCAGGACCATCCGCCG  
AAAGAGGGGAAAAAGCATCCAGTGGGACAAGATATCCGAGATAGATACTCTGGTGGAGCAGAGGCATTTCGGA  
AGAAGGAACGCCAGTGGGCATTTGCATGGTGATCATTCCAGACACAGATCTGATGATGTACCATCTTCCAAGG  
ATGTGCAACCTGATTACAGAAAGGGGCCGAGTAGTTATAGGAATGGAAGCATTTCAAAGAGGCCTGTTCTAT  
CAAGCAGTCGACCAAGCTCCTCTGGGGAGCCAAGTGAATCCGATCAAGTCGTCTGGTGTACGCCAGTAGTC  
GCCTATCTGCAGGCCAAAGGGTTCAACCTGGTTTTGAGTCCAAAACGACAACCTTTACCCGTTCTTCAACTACA  
AAAGGTGGTCGTGATGATACACTCCGGAGCTTTGAGCTGTTGTCTATTGGAAGTGGCAAGAGGAAATGAAAA  
AAAGGATACAGATCAATGTGGGTAAGTAGTGACTGTGTGAATGGTCAACAAAACACCCTATGTATCTTCTGT  
AAATGCCCCAGCTCTATGGTATTTTATATCAATTGAACATGTATATGTGTATCTCGATCATTAGTTGGCTCAGTT  
CGTCCACACTATAAAATTTAATGAAATCTCCAAAAAACATTGGGTTGGAAGCGAAAGCGAAA

>trans\_c\_26 NM\_119661|Arabidopsis thaliana nodulin family protein (AT4G34950) mRNA,  
complete cds

ATTCAAAACCATTTCATCTCCTCCTCAATTCAAAAAGAAAAAGAAAAACACCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT  
CTCTGCTTTTTGTTTTCAAAAATTTAATGGGTTCTTTAAACTTGCCGCCGTCCATGACGGTGCTAAAATGGCTA  
GGATTTGTGTCCGCCGTATGGGTTCAAGGCGATTTCTGGCAACAACACTACACTTTCTCGAATTACTCCGACGCCTT  
GAAATCTCTGATGAATCTAACCCAACCTCAACTCAATAATCTCTCCGTCGCCAAAGACGTTGGGAAAGCGTTTG  
GACTTCTCGCCGGAATGGCTAGTGATAGGTTCCGACTTGGGTCAATTTGCTTATTGGATCTGTTGAAGGTCTT  
GTTGGGTATGGCGCTCAATGGCTTGTGTTAGTCGCAGGATCTCTCCTCTTCTTATTGGCAGATGTGCATCTT  
CTTGTGTATGGGTGGAAACAGCACGACATGGATGAACACGGCGGTGCTAGTAACCTGCATCAGAACTTCCG  
GAAGAATCGCGGCCAGTTTCCGGCATTCTCGAAGGCTACGTCGGTCTCAGCACTGCCATTTTACCGATCTCT  
GTTTTGCTTTGTTTTCTCCGACCCATCTTCTTCTCCTCATGCTCTCCTTGGTCCCTTTGCGCGTCTGTCTTTC  
GCCATGTTTTTCTCCGTGAAATCCCAACTCAAACCACCATTACCGCCGCCGATACCCAACAAGAATCCAATTA  
CTTTTCCGTCTTCAACGTTCTTGCTGTCGTCGTTGCCGTTTATCTCTTATGTTTCGATTTTCATAAAACTCCGGC  
AGACTCATTTCCAATTATACTCAATGGGGCTTCTGATTCTCCTTGGATCCCCTTTGATTATCCCGATATACTCAT  
TTTTCAAGAGCTGGAACCTCGATTTCGGAGCCGGTTGGATCTGGAGGAGCCGCTAGTGAAAGAAGAAGCGGTG  
ACAGGGGCGGTGAAGGAGGAAACAGGGGAAATTGCTATGATAGAACACAGAGCGCCGGTGATTGGAGAAG  
AACATACGATATTTGAAGCGGTGAGAACGATTGATTTCTGGGTGCTGTTTCGTGTCGTTTTTGTGTGGAGTTGG  
AACGGGATTGGCGGTGATGAACAATATGGGTGAGATCGGATTGGCTCTGGGTTACGCGGATGTATCCATGTT  
CGTTTCTTACAAGTATTTGGGGATTTTTTGGCCGGATTCTTCCGGTACACTCTCCGAGCATTTTCTCAAGAA  
GGCAGGCACACCAAGGCCTCTATGGAACGCAGCATCTCAAATTCTAATGACCGTTGGATACGTTTTGATGGCG  
ATGGCAATGCCGGGGGTCTCTCTACATCGGTTCAAGTCATCGTTGGGATCTGCTACGGCGTTTCGTCTCTCCATCA

CTGTCCCCACCGCCTCTGAGCTCTTTGGTCTCAAATACTACGGTCTCATCTACAACATTCTCATCTCAACCTCCC  
GATTGGCTCCTTCTATTCTCAGGCCTTCTTGCAGGATTCTTTACGACATGGAGGCGACTCCAACCGAGGGCG  
GCGGGAACACGTGCATCGGAGGGCATTGCTATAGAATTGTGTTTCTGGTGATGGCATTGGCTTGTGTAATTG  
GGTTTGTGTTGGACATTTGGTTGGCGTTTAGAACCAAAGAACTTTATTCCAAGCTTAAAGCAGCCAACAAGAG  
ATCAACAAAAAAGGTAAACAACAACAATAACTCTTAGTGAGCACAAATTCACAATTAATTGGTGGATTGATG  
GGAATTTTTACCCAAATGACATCCCCAATCTATATATATATTGTTTCTTTTTCTTTTTTTTTTTTTCTCTTTGA  
ATTTGTAATTTTTTTAAGTTTGAATCAATGCCATTTAAGATTGTGTAAGCAAGTTTTGGAATTATCTATTTTTAC  
CCTTGTTGTGTAATAAGTAATTAGATTGTATTTTTTAATCATGACTTTTTCTTAAATAATAAGATCCATATTTAA  
TTTGTACAAAAA

>trans\_c\_27 NM\_123722|Arabidopsis thaliana meprin and TRAF homology domain-containing protein / MATH domain-containing protein (AT5G43560) mRNA, complete cds

GCTATTGCTTTGAAGAGGCAAGAGGAACTCATTCGTGAAGAAGAGGCAGCATGGCAGGCTGAAAGTGAACA  
AAAGGCTAGGCGATTAGCTTCAGAAAAGGATAAGAAATCAAAGAAAAACAGGCTAAACAAAAACGTAACA  
ACCGCAAAAGTAAGGATAAAGGGAGAGAAGAGAAGGCAAATTTGACTGCGCTGATCAGGGAACAAGTAAAC  
CCTAGCAATGGGAAGGAGGAAGACACCATTTGTGGATGAGGTCCAGCCCGTGTTGAAAAGTCTGACATGCC  
GAGGGTGGGTGAGATGTCTCTGATTCTGTTGAAGGCGCTAGTGAATTACTTCAGCCTGATTGAGAGGACAGA  
GATGCCAGTCCTGTCAATTGGGACACTGACACATCAGAAGTTCATCCCTTAATGGAAGCGAGTAGCAGTGGCA  
TTAGCAGTCTATCTTCTGCCAAACACCTTATCTGACAAGAAGAGCTTGTCTGTTATGGATGATAGCTCTTCTA  
CGTGTCTACTGATTCTGTTCCATCTGTAGTCATGAACGGTCCCTATAAGGAGAATTCTTTTCAACTATATAA  
GCAAAAATCACCTAGCGGTGGAAGAATCAGCAAAAGGATGCAGCATATGATCGTAACAGTTGTACCAACGA  
GATGGATAATCAGTCATCAGAGCTTCCAGCTGACATAGAGGACAGAAGTGATGTTTGCGGCAGTAACAAGCC  
TAAAGAGTCTGATCCTGTGGTCATTAATCATTCCGTCCGGGGTAAATAAAAAGGGTTGAACAGCAGGGAGT  
TAACAAGGAAGAAAAGGTCGTTTCATTGCCAAAAGAGCGAAGCTCTAAAAACCAGTTGATATGGAAAGGAT  
ACTTAGAGATGCATCAACAGCTGTGCCATCCTCCCTCAGAATCACCAGGATCATATACCACCAACTGTTGAAC  
ATAAGTCGAGCAATCTGAGTGTGCTGCTCTTGATTCCACTCCAATTAAGCATCATCGTCAACTAGTGGACAT  
CAGATGGAGAAGACTGTGCCTGTAGTTACCTCATCCTATGTTGTAAGTGCAGTAAAAGCAGAGGCTCAGAAG  
TCTACAATTCCAAAACCAACTGAAAAGGCTTCGGCACAGCAAGCTCCTATGATGTCAAGGCCTTCTAGTGCAC  
CTCTAATTCCTGGTCCAAGAGCTACAGCACCTCTTGTTAATGTAGTCCATACATCCCCATTGCTTGCCCGTTCAG  
TGAGTGCAGCTGGCCGGCTGGGTCCAGACCCTGCTCCAGCCACACATAGTTATGCTCCCCAGTCCTATAGAAA  
CGCCATAATGGGCAACCACGTAGCTCCGAGCACTGCAGGATATGTTTCATCTGAGCACCTCAACTTCAGGCGTC  
AGTCCATCAACTGCCTTCTCTTTGGCATCTGCTATGGTTTCTTACCCATGTATGTACCACACAGCTCTGAGAGG  
TTAGATCCAAATGCTGTTAGATCTACTTATCCTTTCAGCATGGTAACGAGATGTCTTACCAAACAGTCCCCA  
GTGGGTGGAGGGTTCACAAAGGGAACTGTTAGGAGCATGCACTACAATTCTCCCTTCTCAATGATGTTCAA  
GATTTATACAAGAAGCCGATTCTGTTGTTCAACCCCTGATGTCCTATCCGCAGAGTCCCGGCCTGTACGTCTGG  
TCGCCAGCTCCAAGGTTTTGCAGAGGAGTTCCTCACCTTGATATAATTAACGACCTCCTTGATGATGAAAATA  
TTGTTGGGATTTCTGCCAGAGACAACTCAATGTTCCAGTCTCTGGGAAATGGACCTACTCTGTTGAACCGGCA  
GTTCTCACTACCTGGTGATATGGGGTGGGATGGCTGGCGATGTAGGGTCTCAACAAGCTCTTGACAGTTTGA  
GCGCACACGGAGTTACCATGATTGGTGGGTTTCAACGGGGATATACATCTTCATCAGTCATTATGAACCCAA  
CATGGATTTTATTCCACCATCCAGTCAACAGCAACACTTGAAACGGCAGATCGAATGGGTTGGGTCCA

>trans\_c\_28 NM\_113143|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein (AT3G22440) mRNA, complete cds



GTCTTCTCTTCTCTTCTCTTTTTTCATACGCCCTTTCTCTCTCCACTCTCTCCCTCTCTCTCCGTCGTTGAGCCTCCC  
CCGCCCCCGCCGCGTTCGAGAAACAGAAGCAAATGGGGACGATCTCCGATCCCGGAGAGTTGAGTGAGTTG  
ACTACCCGAGTTTTGATGAGTTCCAAAGACAAACGTCTCTGATGACTAGCTGTACTCTGCTTTGGAAGGAACT  
ATCCGATCACTTCACTAATCTGGAACAAGATCTTCTTAAGAAATCGGAGGCACTGAGGCATAAAATTCAAACC  
CTAGACCATCAGACTAAGGAGTCTCTTGATGAGCTAGAGAAGCGTGAGGTTAGTATCCAAGGTAGTGTTGAG  
ATCGCGCTAGGTAAGGTTGAGAAAAGTATGGAAGCAGCGCTTAAAGCTCTTGAGAAAGATGGTGATGAGAA  
TGGTGAAAGTGGATGATGATGATGGACTGTTGTTGAAGCTGAAATCGTTCTGTTTAGAAATGGATTCTGGTGGT  
TTTTGGAGGTTTATCACTGGTAAGAAGAAGGAATTGGAAGCACTGAGGGCTAAAATTCATCTGGCCTTAGCTG  
AATGTATCGATCCGCCCAGATTCGTGCTGGAGGCCATCTCGGAGGTGTTTCCACTTGATAAGAGAGGGGAAA  
AAAGTGATGGTGGAATGATTTGGGCTGGGCTTGTTTGTGTTTAGTGCTGAATCCCTGATTCCAGTTGTTGTAGA  
CCCTGTGATCGGGAAGTCGAGGATTTTGGTTACTCCAAGCATGAAAGAGCGCGCTAAGGAGATTGCCGAGAC  
TTGGAAGGCGAGCTTAGAAGAACGAGGTGGTATCGAGAATGTTAGAACACCGGATGTCCACACCTTCTTGCA  
GCACTTGGTTACTTTTGGTATTGTTAAGAGGGAAGATGTTGATATGTACAGGAAGCTTGTTGGTTGGATCGGCC  
TGGCGGAAGCAGATGCCTAAGTTGGCTGTATCACTTGGCCTTGAGATATAATGCCTGATATGATTGAAGAAC  
TAATCAGCCGGGGACAGCAGCTTGATGCCGTGCATTTACATATGAAGTTGGACTTGCGGATAAGTTCCCCC  
TGTCCTGCTGCTGAAAGCTTATCTGAAGGATGCCAAGAAAGCTGCAGCTGCTATTTGGAAGACCCAAATAAT  
ACTGGCAGAGCAATGCACCTTGCTGCACGAAAGAGCAGTCTGCACTCCGAGCCGTTATCAAGTGCAATTGAA  
GAATACAAGCTTCAGGCTGAGTTCCTCCAGAAAACCTCAAGAAACGCCTCGAACAGCTGGAGAAGGTGAAG  
GTAGAGAAGAGGAAGCCTGCTCCAGTCCCTGCCAACAAGAGAACACGAGCAAACAGCGGCGGTCCTATGCCT  
CCTGCCAAGGCTGGTCGTTTGACGAATGCATATGTCTCTTCATACCCTGCAGCTCCTGCATTTGTGAGGTCTCC  
CTCACACACTCAATACCCTGCTGGTGTCCACCTTACCATTCCCCACCCTCAATGTATGGCAGCAGAAGCCAC  
CAACAAATCCTTACACTTACTACCGGAAGCTGCACCACATGCTGGATCGTTTCCATCACCTCCAATGTCGTATC  
CTGCATACGGTGGTTATGGGAATGCAATGGCCCCAGCATATCAACCAGCTTACTACCGATAAACAATGACTGA  
TCTCTGAAGATGGTAACTGCTGATCTTGATGACTCCGATCTTGTTGTTTACTTTCCCAATGGTTTGTCTGTAATA  
CCTAACCATTAAACAAGTAGCCATGTATGTGTGTTAATTGTGACTTGTTATGCTTCTTGCTTTTCGTGCTGAGAA  
GCCAACTCTAATGTTGATCAAACTTTAGCTGTAGGTTGATCGTGTAAGTTATTAGGATGACCACGACACAA  
CATTATTAAGTAGATCCTAATGTCATATGGTCTTTAGTTGTAGAAAGGCTTGCTCTATTGGTTTTATTAATCTCT  
TAGTCTCATAACTCGATCATGCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_29 NM\_001066021 | Oryza sativa Japonica Group Os07g0423000 (Os07g0423000)  
mRNA, complete cds

ACTTCTACGTTGCCTTTACCCTCCGTTTCTACCATCCAATTCTCACAAATTCATGTGGCCTTTTTTCAGCATCGC  
CTACTTCCAAAGGTCGAAAGCTCCAATTCCATGAAAAAACATCCAGGAGTATGAAGCCGTTATCTGTTATTTT  
AAATCACATGGATTCGAGAATTCACATATCGCCAAGTTGGTCTCGAAGCAACCTTCAATCCTTCAATCCATAGT  
ATCCACCAATCTGAAGCCTAAATTTGATTTCTCCGAAATCGGGATCGTCGGTCCTTTACTTCTAAGGTAATTT  
TATCGAACCTGGAATCTTTTTAGGAGCGTAAATTTTCAAGTTGAAACCAACATTTCTGCTCATAAAGGAAATG  
CTCGAATCGGATGAAAAGGTAAGTGTGCTATTTGTCGTGCTTCGTGGATTCTAAGTGCTAATTCTAAGGGTAC  
TATGCGATCTAATTTGATGTTTTGGTCAGTGAAGGAGTACCTTCTACGAATATAGCGAAAATGATTGCATTGA  
ACCCTAGAAGTATTATGCGAAATGTTGGTAGAATGATTCATGCAGTGAAAACGGTTAAAGAATTAGGCGTTG  
AACCAAAGGATCGTGCGTTTGTATGTCAGTTAGTGCAGTGGGTTCTATGAATCATTCAAGTTGGAAGAAGAA  
AATAAATGTTATGAAGAGTTTAGGATGGTCTGAGAAGGAGATTTTACAGCATTTAAGAGATATCCACCTTAT  
TTAAGTTGTTAGAGGAGAAAATGAGGGATGTTGCAGATTTCTTTTCCAACACTGCAAAGTTAGATCGAGGAA  
CTCTAATTACTTACCCTGTATTCTTCAAGTATTCAGTCGACAAGCGACTCCAACCGAGGTACAAAGTTTTTGTAG  
GCTTTGACTGTGAAAAATCTGCTTAAAAACAAAACATTGCTCGGTGGTTTATACAAGGGGAGAGAGAATTTG  
TGGAGGAAAATGTAGTTAAGCATTTGGATGAAATCCCAATCTGATGGACATATACCGGGGCAATGTCACAG

CCGAAACCAAACTGTTCTATAGGATTGGAAAGTTGTAAGTTAAAATGTTCTTGAAGTCCAAATTTGAGCATC  
ATGAACTTTAAAGGGGAGAGCATTTTTGTGGTTATTGAGCCTACTGTTTCAGATAAACTGCTTCTTGAGATT  
TCAAGATCTCTCTGTATTTTCAGGTGGGAGAGTTGTGTTGTTTTGCATCCAAATCAAGGCAATTAGTTAGG  
TAAATCTATTTGGTGTGTATTTGTTTCAGAGACATGTTAATCTTGAAGTTGGAGGCCTTTTTGTTTTCCCTTCCT  
AATGTTTTACTCTTTCCTTGAACATTAGTATGTTTGTAGACTAATTTTGAATCCAATGATGATGTTGAAATGGGA  
TGAGAGACACGAGACTTGTAGATAAACTTTCTGCTTCGTCTCTTTAATGTAGAGGAGATTGGATATTGTAGT  
AGAAGGGATGTAATACACAATACATATCCATCTCATCATAATTCTTTTGCTATTCCATATAACAATCTTATTTCC  
ACAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAATTTTTCAA  
ACCCCCCAACCCGGGGGGGGGGCCCCGACCCCATTTCCCCAAAAGGGGGTCAAATTACCCCCCCCCCGGG  
CCCCCTTTTAAACCCCGGGGGGGGAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTTAACCCCTTTGGACCAATCCCCCTT  
TTCCCCGGGGGGGAAAAACCAAAAGGCCCCCCCATTTCCCCCTTCCCAAATTTGCCCCCCGAAAGGGGA  
AAGGGAACCCCCCTGAAGCGCCCCCTAAACCGGGGGGGGGGGGGGGGTTACCCAAGGGGGACCCCTACT  
TTTGCCGGCCCCAAGCCCCCCCCCTTTCTTTTTTTCC

>trans\_c\_30 NM\_121208|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT5G11700) mRNA,  
complete cds

ATTTGTGGATGAGATCAATGCTATAGCAGCATATCAATGGTGGGAGGGTGCAGTATACAGCATTCTTCTGCT  
CTTGCGTATCCTCTTGCGTGGTCATGGCGACAATGGCGTCGAAGGCTGAACTGCAACATCTACGTGAGTTTG  
TAGGTCAGAATATGATCATGCTTGCTTGCGATCTTGCCGCTCTCGTGCTCTTATGAAGGCATTAAGGTTGCG  
GCAACATCCGATCTAATGCTTGCAATTGTGGACTTCTTCTGGGTGGAGACGAAAAAGAACCGATCTTCTCC  
TCGTTTGAATCAAAGATTTCCACTGGCTTTACTCTTTGGAGGCGATGGAAGTTACATGGCTTCTTTTTCACTCA  
TAACGACAACATTCTTACTAGTCTCATGAGCCAGGTTCTACCACCTACAACATGGTACCGCATGGTTGCTGGCC  
TGAATGCACAGTTACGTTTGGTTCGTCGTGGTCAGCTTAGATCGACATTTTTACCTGTTGTTAGATGGCTGGAA  
AATGTTGCAAATCCTGCTTTGAGGAATCATGGCATTCTGTGTGGATCTTGCGTGTTTTAGGCTACAACCTGTG  
GTTATTGCCAGTACGGTCTTCTTATATATGCTGCTGAAGACATCAGTCCTCCGGCCATAAGAAGTTATCGTGAA  
TATGAACAATATGATCAAATTCACGGGTGAAGAACATTCCAAGAGAAAATCAGTCCCTCCTTCGAGGGAAG  
AAACACGTATAAGACAAGATCATATTTCCAGTGAAGGCCATGCAAGGCGAAAAGAAGTCTTATGGGGGCATTT  
TAGATGTCAGCAGTTTACAAATGCTCCAGGAGAAGAGAAGTATATCTTGCGTTCTATCTTATGTGCTTCACGAC  
ACTAAACCTGTTGGCCACCAGGATCTTGTTGGTTTAGTCATATCAATGCTGCTACTAGGGGATTTAGCTTGGT  
TTTGCTTACGCTGCTCCAGATGTTTTATTCTCATTGGCAGACGTTTTCTAGTCTTGTTATTTGCCGCTCGGC  
ATTCTCCTTCCATTCCCTGCTGGAATCAATGCCTATTTAGCCAAGGACCTAGGCGTTCTGCAGGCCTCGCCCG  
CATCTATGCATTGTGGAACATCACATCCTTGGTCAATGTTTTGGTTGCATTTCTCTGTGGATATGTTCACTCAA  
ATCTCAATCCTCGAAACATCCAAGCTATCAGCCATGGACTATTAACATGGATGAAAGTGAATGGTGGATCTTC  
CCAGCGGGATTGGTTGTTTGTAATTTTTCCAATCCCGACTCATTAATTGGCACGTTGCGAATCTCGAGATCCA  
AGATCGATCCTTGACAGTAACGAGTTCGATATGTTCTGGCAGTCGTGATGATTTTTATTGCTCACCTTGATGA  
CAGACTCTATTTCTCCTACCTTGCTTTTTTTCTGGGGGAGGGAAAGTTCTTACCACACATGGGTTTGCTCG  
TAGGCAGGCAGGCAAGCAAGCTAGCAGGCGTTCTTCTACCATTTATCCACACACTCAAATTTGACTCTTA  
GGCCAGAAATAGATAACAATCAATATCAAAATCAAATCTTAATTTAAAATCCAAACAAAATAGATAAAAAAAG  
AAAAGAAGAGGCGTTCACAATTGTAATCAAATCCATTTGTTTTTCTTTCTCTTAAAGACCAGCATCTTCT  
TTTCTTTTCTCTACTTCCTTTTGTCTACAGTGTTGTATATAATTTGGGATTTGTTATTGCCCTTGAATCCCATT  
ATGTACCCTCTTTTCTCAATCCTGGGGCTTCACCATTTCTAATTAAGTACTAGATGATTCGATATTAAGGTCAT  
TTTTTTTTCACTGTAATAACCTCAGTTACCAAATGAAATTGTGTGAATTGATAATTCTGAATCTTCATATTTTCC  
CATCTATTTTGACATTGATGTTCCAAACTTTCATAGTTTACAGTTTACATGATCTGAAATCTTGATTTAATTCAA  
ACTTTGAAGAAGCAAAAA

>trans\_c\_31 AY564238|Cucumis sativus male-specific expression region sequence

TCTCCATTGGAAACCTATCTTTCCAAGCTTCTTTGATTTAATTTTTAGCAGATCTAGCTCCGCTTCTTCTCTGT  
CGACGTTTTGAAGTTCGTAGATCGATAGATCTGGTGTAGATCTACACGTTGATCGTGTTTTCTTGTCTATTCGG  
TCTATGTTGATAGATCGAAGATCTGCACGGTGATTGCGGTTTTCTTCCGATCTAGCCTCTGGTGACGGATTTG  
CTCATTTCTTTTGTGTTCTGACAGGTTCAACACCAGATCTGACTACTCTTCTTATTGGATCATGTTCTGACGAC  
GATTTTTTGGATTGTTATATAGTTCTTTATCTTTATTCATGGTGCTACATCCATTTCTACGACGATTGAGGAAGT  
ATCGTTCTAGTACGGATAAATTCGGGTTTTGTTTCTTGATATTGGTTATTTGCTTAATTATTATGCAACGAAAGGC  
GTCTCGATCTGTTGCAACAGGTTTGAATCAGATCGGTGGTGGATGCTAGTGGAGGCGATTACGCGTGGCGT  
CTATGCTGGAGATGAAGCGGCTCGGTGCTGTAGATGTAGCGGATTTTCTGGAACCTGTCCGTTGGTTAGAT  
GTAGCAGATATGTGGACAAACATTCGATGGAAGCTGTATCATCTTGTATCATAGTTATGAAAGCATGGGAAAG  
AGTAGATGAGTGATTGTGGATGTAAAGATATCGGGATTTATCCTCTTTTTTGGAGTGGATGAATTCTGGTA  
GCTCTTTGTCATCCGGCCTTTGCCATGACAGGTGCGCTTGCATGGCAGGTCATTCATAATAAAAAAATAGTATG  
TTTTGGTTTTGAGGGGAGATTGCACGGGGATTGCCCGGGTCTCCCCTCACTGTGGTCTGTTTTCTTCTTGTCT  
CTCTTTCTCTCGTGCACCTTCAACCGACAGAATCACTTCTATGGTCATAGCGTTTGACCTGATCAAACCCGCGAC  
ACACAAAGGTACTCGACTTTTCATTTAGGCTCGTAGAGTTCCTCAAGCAATCCTACAATTTAAATTCGTTAAG  
CAAAAAAGCCGTTATGGAGAGAAAAAAGATTCTAGTTCGAATAGTTCGTACTTATCATCATATTAC  
TGAAGTCTCAAGTTTATCATTAAACAGAAACGTTTTCGGTCCTAGTATCGTTTTTCGAACTTGTTTTAAATCAGTA  
GTAATGGTAACCTTTGGGAATTTTGAATGACAGTTTTTGAATATGAGGAGTACATGTCATTTCTACAATCTT  
AGCAAAGGTAAAGTAAAGTTTACATGCAACAATTTATACATTGTGAAGTGTAGCGCACCCCGCCATATTCAT  
ATTATGTTTAATTTAAGTAATTATTTACGATACTTTTTTACAGAACTTCATAATATTGCTCTATATTTTTCCCTAC  
CAATAAAACGTACTTGATTAACAGTATATTCAATCTTAATCATTTATTCCTCTATTCTGCACTATATAATTGAAG  
GCTTCTCAACTAGTATAGGTGGTAGCGATCTCTCTTTGTATCGTTTTGATATGTGATACTATGTGCCGTCTGTT  
AATATCATTTATATGTACTATCCAACCTGGTGGGGTTATATACTTGGTTCATGTATTCGTATTCCCGGCTATGT  
CGTTGTTAGTAGATTGTGTGGAAGACAACCTCTAATGCCGGCAACGTAGAGTAACCCATGCCTTGCAACGGCG  
ACAGCAAGAGATGGAGACCACGGTTGGTGGGGGCAATTTAAGCGGCTCGGCTTGGGAAGAAGCTATGATCT  
TATGGTATTTTACTATATTTTTGCTTACTTTGGATTCTTCCACGCACTGCTATATTGTTTTGCCTTCGTGTTTTG  
AGATATCTTGTTGTGTACTTCTATTTCTAAGTGTTGAAGAAACAGTCCTAGTTTTGTTTGAATTTCTTTTGA  
AGCTTTGATCAATTGGTATGAAGTCAGTTACAGTGTTGGTAATAATTGTGCGAAGTATCTTTTTCAACAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_32 AF148448|Sporobolus stapfianus polyubiquitin mRNA, complete cds

ATACAGACTCGAAATACTCTAACTTTCTCATCGCGCTTTATTCCTATTTTCGTAATTCGCTCTTCTTCAACCCCTC  
AAGATGCAAATCTTTGTGAAAACCTCTACCGGAAAAACAATAACCCCTTGAGGTTGAAAGTTCTGACACTATCG  
ACAATGTAAAGGCCAAAATTCAAGATAAGGAAGGAATCCCTCCAGACCAGCAAAGGCTTATTTTCGCTGGAA  
AGCAACTTGAGGATGGTCAACCCCTCGCTGATTACAACATACAAAAAGAATCAACCCCTTCACTTGGTTCTCCGT  
TTACGTGGTGGAATGCAAATCTTCGTGAAAACCCCTCACTGGTAAAACCATCACCTTAGAGGTGGAAAGCTCTG  
ATACCATCGATAATGTGAAGGCTAAGATCCAAGATAAAGAGGGTATTCCCCCTGACCAACAGAGGCTAATTTT  
CGCTGGTAAACAACCTGAAGATGGCCGGACTTTGGCGGACTACAATATTCAAAGGAATCCACTTTGCATTTG  
GTGCTTCGTCTTCGTGGTGAATGCAAATTTTCGTCAAACACTTACGGGGAAAACCTATTACATTAGAGGTTG  
AAAGCTCTGACACAATCGATAATGTCAAAGCTAAGATTCAAGACAAGGAGGGAGTTCCCCCGGACCAGCAGA  
GGTTGATCTTTGCAAGGCAAGCAGCTCGAAGATGGACGGACACTAGCCGATTACAACATTCAAAAGGAATCCA  
CTCTTACCTTGTGCTCCGTCTTCGTGGTGAATGCAAATTTTGTGAAAACCTTAACGGGAAAAACAATCACT  
TTGGAAGTTGAGAGTTCAGATACAATTGATAATGTTAAGGCTAAGATTCAAGATAAAGAAGGGATCCACCA  
GACCAACAGAGATTGATTTTCGTGGTAAGCAATTGGAAGATGGTAGGACTCTAGCCGACTATAACATTCAAA

>trans\_c\_33 NM\_112039|Arabidopsis thaliana Aha1 domain-containing protein (AT3G12050)  
mRNA, complete cds

AATCTCCTGGATCTCTCCCATTTTTCCACCTAATTTTCCCTCTCTCAAGCTCCGGTGATGGCCAAGTTCGGCGA  
GGGCGACAAGCGGTGGATCGTCGAGGAACGTCCCGACGGCACCAATGTCCACAAGTGGCACTGGGCTGAGA  
CCGATTGCCTCGAATGGTCCCCTAATTTCTCTCTAAGCATCTCTCTAGTCTCCCTCTTCTTGACGCGAGGGCG  
GCCTGTTTCATCAAGACCAAGAAGGTGACAAAGTTGATGGTGAGGCCTATGTCAATATTCGGAAGGGGAAGA  
TAATTCCTGGTTATGAACTTAGTGTTACTCTCTCTTAGGAAGGCGAGGCCAAGGATTCCGCCGGCGAATCTCT  
GCAGAAGGTTGATGGGCTTGTTGAGATTCCGTATATTTCTGATGAGAATGCCGATGAGGATCCTGAAGTTAG  
GGTTTCTGTTAAGGATGAAGGGCCGTTTGGGAAGAGAATGAAGGATGCTATGTTGGCTAAAGGGAAGCCGA  
TTGTGTTGGAGAAGGTGAGGTTGTATGTGCAGAGTATGGCGAGGGGTGGGCCTGCTAAAGATGATTTGGAG  
GCTAAAAAGGTGAGCCGAAGAGTAATCAATCGACTCCTGCTGCGGCGGCGGCCGAGCAACTGCTCTGCT  
GCATCAAAGCCAGCAGTGCGCGGCAGAGAAGAAGAAAGTTAAGAAAGGGTCAAGACAATAACTCTGACTGA  
GAAGTTCAGTTGTAGGGCTAACATCCTGTTTGAAATTCTCATGGATGACAATAGATGGAAAGGATTCACTCAG  
AGCAATGCTAAAATAAGCAAGGAAGTAGGTGGAGAAATCAGTATATTTGATGGGTCTGTCACCGGGAAGAAC  
TTGGAGTTGGAAGAGGGGAAGTTGATTGTGCAACAATGGAGATTTGGAAGCTGGCCTGATGGCATTATTCC  
ACGGTGAAATTGACATTCGATGAGCCTGAGCCTGGTGTTACCATTGTGAAGTTGGTACACTCCGACGTGCCTG  
AGGAGGACAGATATGGGAACGCAACTGTGGTGGAGAACACGGAAAGAGGCTGGCGGGATCTTATATTCCAC  
AAGATCAGAGCAGTTTTTGGCTTTGGAATATGATTGGGTACTTCTCCCTTACAACAGAGTCCAGTCCTTTGGTT  
TCTTAAGAAGCTTCTCATTTGCATATCATCTTCATGAATGATAATGATTTGAAATGCTTAAATTTATATTGTCAG  
ATGATGTAGCGTTCTCATAGTCTGTATTGTCTTACATCCATATTTGAGAATCAAAATTCATTGTTGGATTCTGAG  
CTTTTGACATACAATGAGATACGATTGTCACCTCTTCTATCACATTTTGTCTTGTTATCTGTAACCTCATGAACCAT  
GTTAGTCTCGTTCACTTTCTTTTGGCCGAATAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCC  
CCCCCAAAAAATTTATTAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGCCCCGGGCCCCCATTTCCCCCTAAGGGGGTTCTT  
AAAACGGCGCCCCGGGGCCCGTTTTTTAAACCCGGGGGGGGGAAAAACCGGGGGGTCCCCCAATTTAATC  
CCTTTGGACCCCCCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCATTTCCCCCTTCCCAAATT  
TTGCCCCCCCGGAGGGGGGAAAGGGACCCCCCCCCGAACCCCCCCTAAACCGGGGGGGGGGGGGGGGGTTTAC

CCCCAGGGGGCCCCCTTAATTTTGAAGGCCCCAAACCCCCCTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTCCCGCCTGT  
TGGGGGGTTTCCCCGAAAGGCTTAAAAGGGGGGGCCC

>trans\_c\_34 FJ839963|Hevea brasiliensis bHLH1 transcription factor mRNA, complete cds

AAAGAAAAAACCCAACTAAAAATTTATTAATACTCTCTTACCCCTACCCCTCTCTCTCTCCATTCTTCCTGC  
CAGATCTTTACCTTGCAGACCAAATCTGGGCACTGATCTACCGAACTCTACCAAAAATCGTCCGATCCTCTTC  
GTTTTCTGCCTGATTAGCTCTGGAATCACGATTGGGTTTGTCTTTGAAATTAAGTGGAATTGGAGAATAGAA  
TCAAGATGCCGTGGACTTCCTCTTTGGTGAATTACAGCAGCAAGTGTGTTCGCTTGGTGGTCTTCTTTCGTGTC  
ATTCTGTAATTTGTTTTGCATTGGAGGAAATTAACGTTGACTTTGTTAGTCTATCTTACTTTGCGGTTAATT  
CACTTTTATATTACTGGTTGGAGGAGTGAGAATGTACATTGGTATAACGGGAAAGAGAAGCAGAGCTGTTGA  
GGAAATTGGGAAAGTTAACATGAGTGTGGAATCATTGCCTACTACCAAGTGATGCAAGTTTGCCAGGCTGA  
GTACTTCCGCCAGTTGCTAAACCTGTCACGTAGGATAACATTGCAAAAAGTATTTGGACATTGGGGAGTTGG  
GTGGACTGGCCTCCAGTTGTGCTAGAATGAAGAAATGAGATATTTCTTCTGTTTGTCTTTAATTTGATATAA  
AGATCTTGCTTAAATTTAAATGGCAACATATAGAGTTGCTGTGTAGTCTTCTCGTTAGTTAACATCCCATTTTAA  
TTTTCGTAATATAATAGCAACCTCTCCTGGGAGAAGACACGATAACCTGAAGTTTGGAGAGTTTCCCGTTTGT  
TGTTTCTTTTACATGGATTTTATGCAGAGTGACCTCAACTTTTACCTCAAGAAGGCAACGCATCCACAGCAAC  
CCAGGGGGATGATAATCATATGCAGATTCTCTGTCTGCTTCTCTGTTTACCTCCTGGGAGAAAGA  
ACTTGGGACCTTTCAATACTGTTGAGTCTCAACCTTCTGAAGTTTGTCCCCAAAATTTTCATCATCTTTGACCACA  
CTGACAATCGAAGTCAAATCATGTTTCATCCTGCAATTGCCAACAACTCAGTGGTCTACTGCAATATGTGC  
TCAAAGTATATCCAAAAGAACTTCTGCGTCAATGACAACATTACGAAGATAGAGAAATATCATCTCCTTTGAT  
GGAGGATTTGGACGATATTGATGCATTATTGAGCTTGGAAAACGAAAATCATGAAGGCCTTGATGGATCTGA  
AGATGACGAGGTCAGCACTGCAAGATCTCATTTGAACTATGGGAATCAATCCCCGATTCTTCATCCTCCTCCA  
CTTATAGTTCAAACCCAGGAAGAATCACTCATTTAATCCTGTCCACAAGTCGTCAAGCAGTGGAAGCAGCTG  
TAGCAGCGACATGAAACAATTAATACTGAAGAAAATGGTGAGAAAATGAGAGAGATTCTCCTGGTGGTTA  
CCAAATGACGACAGTCACTGTTCTGGACGAAGCTGTCAAATACCTGAAGTCTCTGAAGGACGAAGTGCAGAA  
ACTTGGAGTCGGGGGCTTGGAGAACTAAGGCTCCAAGTACGCCTTATGGTTGCATCAGCTATAGAACTCTGTA  
AGGATATATCCTGATTTTCTCTCTGCCACCTATTAATAAAGAGGATTCCCATAATGTTTCACCTCACAAGAG  
ATTATTATTCGTTCTTCTGAATGTTTCGAGTTTCGTACACCTGTGTGAATGTGGAACCAAGATTCTTGTGAGGC  
TCCACCAGGACTATGTTATTCATGTTTTGCTTCCATCTCTAGAAGTTCTGGGATTGATCTGCTGTTTCTATTGGC  
ATTTGTTGATTTGCCGAATGTTATCTTTGATTTAAGATTGCCGTGTACTTCTTATTTGTTTTGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_35 XM\_002865934|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aldo/keto reductase family protein,  
mRNA

CTCCATCTCCTTCCTTTCGCTTCCAACCTACCGTTCTCGAGCTCCAGATCGATGGCACAAATGGCTTCCTTCGCAC  
TCAGCCCCCTCTGCTTCGGATCCTTCACCGCGGCCGCATCCAACAAGGCTTCCTTCTTCTTCTCCGGCGGCTT  
TCAAGCCACTCAAACCTCCTCTCTTTGGCCATGGCAGAAGGTTTGTTCATCCGACATTTCTATTCAATTATCCA  
AATTGAACCGCTTCAAATTCATTTCAATGGCGCTCCTAGGTAAAAATGGGCCCTCTGAGTGTTCCTTATGG  
GATTTGGAACCTTGGGCGTGGGGGAACCAACTCTTGTGCGGCTACCAGGAATCTATGGACTCTGAGCTTCAACA  
CATTTTCAATTTGGCTGTGGATAATGGAATTAATCTCTCGACACTGCGGATTCTTACGGCACTGGAAGATTGA  
ATGGCCAAAGCGAAAAGCTACTTGGAAAATTTATCCGACAATCTCAAGTTAAAAATGAGATTGTGATAGCCAC  
CAAGTTTGAGCATATCCATGGCGCCTAACACCTGCACAGTTTGTCAAAGCTTGCCAGGGGTCTTTGGAGCGA  
ATGCAGATGGAGAAAATCGGTATAGGACAATTACATTGGTCAACAGCAAATTATGCTCCCTTACAGGAGATG

GCTCTTTGGGATGGACTAGTGGCAATGTATGATAAGGGATTAGTTCAAGCAGTTGGAGTAATCAACTATGGA  
CCGAAGCAACTAGTAAGGATATATGACTACCTAAAAGACCGAGGAGTTCCTTATGCACTGCTCAGGTGCAAT  
TTTCTTTACTGAGCATAGGCGATGATCAGTTGGAGGTTAAGAAGATATGTGATTCTTTGGGCATTGCGCTAATA  
GCTTACAGTCCTTTGGGATTGGGAATGCTTACAGGAAAATACTCACCTCCAACTTCCATCTGGACCTCGAGG  
TTTGCTATTAGGCAAATTCTACCAGGATTGGAATCACTACTGACTACACTTGGAGACATCGCAGAGAAGAGA  
CGCAAAACAATACCACAAGTTGCCATAAACTGGTGCATATCCAAAGGGACCATACCCATACCTGGAGCTAAGA  
CATTAAACAAGCTCAGGAAAATTTGGGTGCTCTAGGCTGGAACCTTACACAAGAGGAATTGAACCTGTTGG  
ACAATGGAGCTCAAGAGTCCCCTCGAAAATGATACAGAATATTTTCCAGACAAGGTAACTTAACTGCACCAA  
GAGGTGCCCCGAGGAGAAGCTGGTGCATATAGCTCACAAGGGCTGTAGATGAGTTCAAATTGGATATTGATGT  
GAGAATAATAAATTAACACGTTTCATCAATAAAATAGATTCAAAAAGAAAATAAGACCATCTCATAATCAATGT  
AAACCAATAAAAAATTCTCAAGTTCGAAATACAAAATAGAATTCTTAACAAATGAGCACATAATCTAAGAGCC  
TACGGGGCGCATTGAAGTGATATATAAGGAACCACAACATTTTCATCCTTAAAATCAGCCGTCTACTTGATTTTC  
TTCTTTGGCCTCAGCTGATTGCTGTGACCACATTTCTTCTTACGGCAGCTGACAGCGCGGGGATGCAGGCGCG  
CATAACATTTGCGGCAGATCATCTTGTCTGTTATATTTCTGGCCAATGCCATCAAAGATGGTTCAATAATC  
CCACCACGAAGCCTTAGAACCAAATGTAGTGTTGACTCTTTCTGGATGTTGTAGTCGGCAAGAGTGCGCCCAT  
CCTCGAGCTGCTTTCCGGCAAAGATAAGCCGTTGCTGATCGGGGGGAATACCCTCCTTATCCTGGATCTTGGC  
CTTGACATTGTCAATTGTGTGCTGACTCAACTCCAGCGTAATGGTCTTCCCCGTTAGGGTTTTGACGAAGA  
TCTGCATTTTCTAATCGTCTCTTTTCTCGCCGTCTCCGTGATGAGTTAGGGTTTTACGTTTCCGACTTTTGTG  
CCCCCTCTATCTAT

>trans\_c\_36 XM\_002893549|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycoside hydrolase family 47  
protein, mRNA

ATGAACTTATGCCACTAAGCCAGCATGGAAGTATGGGTTAGGAGGTTTGGGTGCTACAGTTGTGGACGCCC  
TTGACACTGCCATGATAATGGGCGCTAGTGATATTGTCTCTGAGGCAGGCTCATGGGTTGAAAAACACCTTAT  
GGATAGAATTAAGGAAAAAGGTCAAGTCAATTTATTTGAACTACCATACGTGTTGTAGGTGGTCTCTTAAGT  
GCATATCACTTGAGAGCTGGAGAATATGGGAAGACCTTTGGAAATGAAGGACCCAAACCTGCTGTTTATCTAG  
AAATTGCGAAGAAGTGGCTGATCGTTTGCTAAGTGCTTTTACCTCCAGTCCAAGTCTATTCTCTCTGTGATG  
TTGTTTTAAAGATTCTCTGCTCATGCAGCTCCTGGTGGATCAAGTAGTACATCCGAAGTATCTACTTTGCAG  
CTGGAATTTAATTATCTTAGTACTGTTTCAGGCGACCCAAAGTATTCAATTGCTGCTATGAAGGTCTTGGAACA  
CATGAAGAGCCTTCCGAAAGTGGAAGGTTTGGTTCTCATCTATATTAGCCCTCATACTGGCGAATTTAGTGGT  
GAAACCATAAGACTGGGATCTCGTGGTGATAGCTACTATGAGTATCTACTGAAAGTGTGACTTCAGAAGCGA  
ACAAGCGGAAATAATAATTTCACTTACCTACATGATATGTATGAAGAAGCCATGAAAGGTGTTAAACATCTTCT  
TGTTTCGGAAGTCTATTCCAAATGGGTTGGTTTTTGTGGAGAATTGCCCTATGGATCAGATTCTGCTATTAGTC  
CGAAGATGGATCACCTGGTATGTTTCTATCAGGTACCCTTGCTCTTGGTGCTACCAAGGGCATCACCAAGGA  
AGAAGCCATGAGTAAAAGCTTGTTGAGCTTTGATGATCTGGAAAATCTAAATCTGGCAGAGGATCTTGCAAAA  
ACTTGCTTTGAAATGTACGAAGTAACATCTACCGGTCTTGCCCCAGAAATTGCTTATTTTCATACTGAGGAATA  
TTCTGAACAAGGCCATGATGGTGGAATAAAATTCGAAATACATAGATGACATAATAATCAAGCCACTGGAT  
CGTCATAATCTTATGCGGCCCGAAACAGTCGAGTCATTGTTTGTCTGTATCGTATCACAGGCAATCCAAAGTA  
TCGTGCATGGGGGTGGGAGATTTTTGAAGCATTGAGAGGCACACGAAGGTTAGTAGTGGTGGATATACATC  
ACTGGATGATGTCACTACAGTTCCTCCTCGGAGAAGGGACAAAATGGAGACATTCTTCTGGGGGAGACTCTC  
AAGTATTTGTACTTGCTATTTGGGGACAGTTCACGATTCCATTGGATAAATATGTGTTCAATACTGAAGCACA  
TCCTCTACCAATGGAAGGCAATATTCAGATTCAATGATACCAAAAATTGTGTTTGGTGGAAAGGTGCGGCAAT  
AATCGTACCACATTAGCTCACGGAAGCCTGTTATGGTAAAATGGAATAGAAGGTTTAACTTGCCAATTTACAT  
GAGGTGCACTTGCTCATATCTCGATAATTTAACCTTTTAGTTTAATTATTATTTTTTCAAATATAGGTTTTT  
GTTTTTCTAGTCTCTACATCATAGTCTAGCTTAAACAAATAATTTGGTTCATCGTTAAATTTGTGCACAATGTA

ACCATTTTCTAGTTTTCTCAAATAATTTTTGTTTTTAAAATTTTGAAATGCTAAGTTGAATATGAGTATGAACTT  
GTACTACAGTAGCGGCTAGTTGTTTCCGTTTATTTCACTCAATAGTTTCAGTGCTATTCATCAATTGAGTGCA  
TAGTTTTTATTTGAATTTAGTCTTTGAGTTTTAATATTTACATCAAATAAATAGTTGTAATATCGAACCATTGA  
CTGCATTGCTATTGATATTTTTACCAAAGAAAAAATTATTCTACCTACAAAAA

>trans\_c\_37 XM\_002316814|Populus trichocarpa Sec61 transport protein, mRNA

CCTCTTGCTGCGACACGATAATTGACTATAAGGAAGATGGGAGGTGGGTTTAGAGTCCTTCATCTGGTCAGGC  
CATTCCTTTCTTTCTCCCTGAGGTGCAGAGTGCCGATCGGAAATTCATTGAGAGAGAAGGTCATTTATACT  
GTCATCGCACTTTTCATCTTCTTGGTATGCAGCCAGCTTCTCTGTATGGGATTCCTCCACCACGGGCGCAGA  
TCCGTTTTATTGGATGCGTGTTATCTAGCTTCCAATCGTGGTACCGTCATGGAGCTTGGGATCACCCCATCG  
TCACATCTGGGATGGTGTATGCAACTCTCGTTGGATCCAAGATTATTGAAGTCGACAACAATGTGCGGGAGG  
ATCGTGCACTCTTAACGGTGCACAGAAATTGCTGGGCATCCTCATAGCCGTTGGTGAAGCGGTTGCTTATGT  
TCTTCCGGAATGTATGGTAGCGTTAGCCAATTGGGGTGGGAAATGCTATTCTTATAATTGTTTCAGCTGTGCT  
TCGCCGGTATTGTTGTCATATGCTTGGATGAGCTTCTCCAGAAGGGATATGGTTTAGGATCTGGAATTTCCCTC  
TTCATAGCAACGAACATGTGTGAGAACATTATTTGGAAAGCATTAGTCCGACCACCATTAAACAGTGGACGAG  
GAGCTGAATTTGAAGGAGCTGTCATTGCTTTATCCACCTGCTGATTACCCGGACGGACAAGGTTTCGTGCATT  
GCGGGAAGCATTCTATCGACAGAATCTCCGAATGTGACAAATCTGCTTGCTACGGTTTTGATCTTCTTAATTG  
TCGTCTACTTCCAAGGATTCCGGGTGGTCTGCCTGTGAGGTCAAAGAACTCCCGTGGACAACAGGGTTCTTA  
CCCAATTAAGCTTTTCTACACCTCCAACATGCCTATCATTCTTCACTCTGCTCTTGTTTCCAACCTTTATTTATCT  
CTCAGTTGCTGTACAGGAAGTACAGTGGGAACTTCTGGTGAATCTTCTGGGTATATGGAAGGAATCTGAGTA  
TTCAAACGGCCAATCCGTCCCTGTTGGTGGCCTTGCTTATTACATTACCCACCATCAAGCTTAGCTGATATGG  
CAGCCAATCCCTTCATGCTTTGTTTATCTCGTCTTCATGCTATCAGCATGTGCACTCTTCTTAAACTTGGAT  
TGAAGTTTCTGGTTCCTCCGCCAGAGATGTGGCCAAGCAGCTGAAGGAACAACAATGGTCATGCCCGGACA  
CCGTGAATCTAACTTACAGAAAGAGTTGAACCGTTACATACCCACAGCGGCAGCATTGGAGGAATGTGCATT  
GGTGCACTGACCGTGTGGCTGATTTATGGAAGCAATAGGTTCTGGAAGTGAATTTGCTTGCAAGTGAACAA  
TTATTTATCAGTACTTCGAGACTTTCGAAAAGGAGAAAGTCAGCGAATTGGGTCTGTTTGGTTTCTAACTTTT  
TTTTGTTGGTTTAAAGTTATGCTTTGGTGGTGCCAAAGAGCTCCCTGTCAATTTTGGTGCCTAGGGATTGTCAC  
AACTCTCTTAACCTTAACAAATCTTAAGATCTAAAGTCGAAGAAGCAGGTAACTTCTAGCTTTTGGTTCACTG  
TAAGAGCACAGAGATATCACATCCTTGAGATTCTGAATCTCCACGTCTTCTTATGTGCTTCTACTTCCATAGT  
TCCATGTTCATAGTCTTTTGGCGCAACAACAATACGGTCGTAGATTTAACAGAAAAAAGAACGAGTTGGGT  
TTGTAGGCTAGCCTAGGTTATGGTTTGAACCTCTGAACGCGTGGTAGCTGAAAGGATGTCAGATTGTTAGTCAA  
ATTAGGAAAGCAAGCCACTGTGATTATAGGCTTTTGAAGTTCAATTTTCAATTTGTAACAATTGAACATTT  
GTTTTTGGCCTTCTGTTTTATATGTGGAACAATTGGTATTTAGAGAACCATTTCATCACACGTCTATTTTTACT  
CTT

>trans\_c\_38 GU013763|Eucalyptus grandis xyloglucan galactosyltransferase (MUR3) mRNA,  
complete cds

AAGTTTGCCCTTCTCGTGTAGTAGATGCGCCGAAATGATGTGAAATCAATTCGTGAGCCTCCGAAGCCTG  
TTGATCGGGAGCCTAAGTTCACTGCCAAACCTGAGATTGAGACATTTCCGTTCTGTTAAAGCATTGAAAAGTGT  
GAAAATAAGAGTGATCCATGTGGCGGGAGGTATATTTGTTTCATGATCTTCTTCTAGGTTTAAATGAGGATA  
TGTTGAAGGAGTGTAAGAGTCTAAGCCTTTGGACAAATATGCGCAAGTTCACAATAATGCTGGGCTTGGTCC  
ACCACTTGAAAATGTGGAAGGAGTGTTTTAGATACAGGCTGGTATGCAACAAATCAGTTTTCGGTTCGATGTG  
ATTTTCAGTAATCGAATGAAGCAATATGATTGTTTACTAAGGATTCTTCATTGCTGCTGCTTCTTCGTGCCA

TTTTATGCTGGGTTTGATATTGCGAGATACCTTTGGGGATATAATATATCTACTAGAGATAGAGCTTCACTTGA  
TTTGGTGAAGTGGCTCGAGAAAAGGCCGAATGGGGCATTATGGGCGGTCTGAGATCACTTCCTTGTTGCTGG  
TAGGATCACATGGGATTTTCTGAGGAAGAAAGAGATTGGGGAAACAAGCTTCTGTTTTTACCT  
GCTGCTAAGAACATGTCCATGCTTGTAGTTGAATCAAGCCCATGGAATGCCAATGATTTTGGTATTCCATATCC  
AACATATTTCCATCCTGCAAAGGATTCTGATGTCTTTATTTGGCAGGATCGGATGAGAAAACTCGAACGGAAA  
TGGGTGTTCTCTTTTCGAGGTGCTCCACGCCCCGACAATCCCAAGTCAATAAGAGGGCAGATTATTGATCAAT  
GTAAGAATTCTAAGGTCTGCAAGCTGCTGGAATGCGATTTTGGGGAGAGCAAATGCCATTCTCCTAGTAGTAT  
AATGCAAAATGTTTCAGAGCTCTCTTTCTGCCTGCAACCTCAGGGCGATTATACACCAGAAGATCTGCTTTCG  
ATGCGATGTTAGCCGGTTGCATACCTGTCTTCTCCATCCGGGATCAGCATAACCCAATATACTTGGCATCTC  
CCAAAGAATTTTACAAGATATTCAGTATTCATCCAGAGGATGATATCCGCAAGAGGAACATTAGCATAGAAG  
AAAGGCTTGCTCAAATTTACCTGAGCAGCTGAAGCTAATGCAGGAGGAGGTCATCTCTATGATTCCAAGATT  
GGTATATGCTGATCCGCGCTCCAAGTTGGAACCTTGAAAGATGCTTTTGATGTCTCTGTGCAAGCGATTATCA  
ACAAGGTGACAAAGTTGAGGAAAGACATAATTGAAGGGCACACCAATGACAATTTTATCGAGGAGAATAGTT  
GGAAATATGAGTTACTGGAAGATGGGCAGCGGGAAGTTGGACCTCATGAATGGGATCCTTTCTTCTCTAAACC  
AAAGGATGGGGATTCTGGTGATACGTGCGCCGAAGCTGCAAAAAATTCATGGAAAAATGAGCAGAGAGACA  
AATCATGAACTGATCGGCTGAAGTTGATTGATACGTCAGTAAACATACCATTGGCGGTTAATTAGCTCAAAT  
AGAAGCCTAAAGAAAAGCTTCCAGCATCAAACCAAGGACTTCTTTTATAGATTGAAAGCTTAATCATCCTCCA  
GCTAAACAGGGGCTGCCCTTCAAAAACAAAGCAGTGAGTATTTGCTGTCCTATTAATTATAGTTTTTGTATACAG  
AAATCATAGTTCTTTATTACATGCCTTTCTCAGTAATTCTTTGTATTGAGAGTTGTCATTTTATTGGCCAGATTTT  
TCTTCTGCAAACAATGCACAAATCATATGATTTAGATTTATTAGTCATGAATGCTTCACTTTTTTTGAAGTGAGC  
ATTAATTCTCATCTTAGTGGAACGATACCCGAATTGAGTTATATTATTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_39 AB182628|Glycine max Gm pdil-1 mRNA for protein disulfide isomerase-like protein,  
complete cds

AATATCGTTTTACGGAGAGCTTCTTCTCCAGTGCTTCAACAATGGCGTCTTCTGCTTTGATTGCTTCTTTCTCT  
TTGCTTCCCTTCTATTCTCTGCTTCTTTCTTTGAGATCTACGCTGAAGAGGCTGAGGCCAAGGAGTTTGTGCTTA  
CCTTGGACAATTCCAATTCTCTGACGTTGTTTCCAAGCACAACCTTCATCGTCGTTGAGTTCTACGCCCCCTGGT  
GTGGGCATTGTAAGAACCTGGCTCCTGAGTATGAAAAAGCTGCCTCTGTTTTGAGCAGTCATGACCCTCCAAT  
TACTTTAGCCAAAGTTGATGCAAAATGAGGAGTCAAACAGAGAGCTGGCAACTCAATTTGAAATTAGGGGGTT  
CCCCACCATTAAAGATACTGAGAAATGGGGGTAAATCAAGTCAAGATTACAAAGGACCTCGTGATGCAGATGG  
TATTGTTGACTACTTGAAGAAGCAAAGTGGGCCTGCATCTGCTGAAATAAAATCTGCAGAGGATGCCAATAAT  
CTCATTAAAGATGTTTTATTGTCGGGATATTTCAAAGTTTTCTGGAGAAGAGTTTGATAGCTTCAACGCTTT  
GGCTGAGAAGTTGCGTTCTGACTATGATTTTGGTCACACTTTGGATGCTAAGCTACTTCCGCGTGGAGAAACA  
TCTGTATCTGGCCAGTTGTTAGGCTTTTCAAGCCATTCGATGAACAGTTTGTTGATTTTAAGGATTTTCGATCCA  
GCTAAGTTGGAGAAGTTCAATTGAAGCATCTAGTATTCCTATTGTAACGGAGTTCAATAATGATCCTAGCAATCA  
TGTATACCTTTCCAAGTTCTTCTCCAGTTCTAATGATAAGGCTATGCTTTTTCTGAACTACACCACCGACGCTGC  
TGATTCTTTGAAATCCAAGTACCGTGAAGTTGCTGAACAGTACAAAGGAGAGGGAATAAGTTTCCCAATTGGA  
GACAGCGAATCCAGTCAAGCTGCTTTAACTATTTTGGACTCAAGGAAGATCAAGTGCCTGTCCTTCTGTGCA  
AAAAATGATAGGTTTAAGTATGTGAAATTCAATGTGGAGGCTGATCAGATTGCTCCTTGGGTGAAGGATTAC  
ATGAATGGCAATGTGCCACAATTCATAAAGTCAGAACCCATTCTGAGAGTAACAATGAACCTGTGAAAGTGG  
TTGTTGCTGATAGCATCCAAGATGTAGTCTATAAATCTGGAAAGAATGTTTTACTGGAATTTTATTCTCCATGG  
AGTGGACACTGCAAAAACTTGCTCCAACCTTAGACGAAGTGAAGTGTCTCATATGAAAGCGATCCTGATGTCA  
TTATTGCTAAGTTTGACGCCACGGCAAACGATATTGCAGATGGTGATTTTGAAGTCCAAGGTTACCCTACTTTG  
TATTCAGATCAGCAAGCGGAAAGCTGGTCGAGTATAATGGTGATAGATCCAAGGAAGACATAATAAATTTT



ATTGAGACAAATCGGGATAAACTGCAGAGGCAGATACAAAACCTGAGGACACAGAGTCAAAACCTAAGGA  
ATCAAAGCCAGATTCAGAAGCCAAGGATGAGCTCTAAAAGGGGAAGCAAGTCTTTTGTGATTGAAGAGCTG  
AGACCTGAAAGCCATCTGGGGGTAAAGTAGCTGTGCAGCTTGAGTTGTTAGGGACATGTTTTGGCAGCAGCT  
GCTATTCCCATGGAAGTTGACAATAGTAATTAGCACAGAGCATGTGATCTGATCCTCTTTTCTGTTTTTCCA  
AATCTCACTTTTTCTCATCTTTTTTTCCCCCTTAATATTTCAAAAATAAACAATAATGTGCAATGCAATCTCTT  
TGCTTTTGGAGTAGTTTTAGTTCTATTATCCTCTCTCTATAATGTAACGATTATGTGACAGTATAAACATCTG  
AGTTACCTTTAATTTATAGGCGGAGTTTAATGCTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_40 AF188832|Fragaria x ananassa annexin mRNA, complete cds

GGGGGAGGTACCGTTGTAGGCCACGTCGAGCAATCTCCGGTGGAGGCGTGGATTTCAGACGAGAGTTGCT  
AAAATTCAAACAGAAGCTCACCATTTTCAGTATTTAAAGAAGAGGGTAGAGACAGTGTGAGAGCATTCCCCAC  
CTTAATCGGCACACATACCCAACTCATAATCCATCTTTACTTTCAAGTTATGGCCACCCTTCTTGTTCTCATGA  
TGTTCTCCCCCAAATGTTGATGCAGAAGCCATTAAAGCCGCTTCCGAGGCTGGGGTACTGATGAGAAGGCC  
ATCGTTGCCGTTCTGGGTTACAGAAATGCACCTCAGAGGAGGCAAATCAGGATTGCTTACGAACAGCTCTTCG  
AAGAGGATCTTGTTAAGCGCTTTGAATCTGAGCTCTCTGGCCACCTCGAGAGAGCTGTATACCGATGGATACT  
AGATCCAGAGGACAGAGACGCTGTGTTGGCTCACGTCGCCTTAAGGAAGCCCAATGAAGATTTTGAGTTCTT  
GTTGAATTTTCTTGCACTTACTCTCCTGAAGAGTTCTTGGCAGTCAGAAGAGCGTATCAACACCGGTACAAGCG  
ATCATTAGAGGAAGATGTTGCCGCCAACACTCACGATGATTTTCGCAAGCTATTGGTGGGGTTGGTGAGTGCA  
TATCGTTACAATGGTGGAGAGATAGATGCAAGATTAGCCAAATCAGAAGCTGAGATACTTGAGCGTGAGTT  
AAAGACAAAGCCTTCAATCATGAAGATGTTATAAGGATCCTAACCAAGGAGTAAGGCACAGCTGATTGCA  
ACTTTCAATCACTACAAAGATGCCAATGGTATTTCTATCTCTAAGCAATTGGGCCAAGATCGTGCTGCCAATGA  
GTTACAGAAAGCACTTAAACTGTGATTGATGCATCAACGACCCTGTAAAATACTACGAGAAGGTGGTGCGA  
AATGCAATCAAGAAGGTTGGGAAGAGCGATGAGGATGCATTGACTCGCGTGGTGGTGACGAGGGCGGAGA  
AAGACTTGAGGCAAATAAAGGAGGCTTATCACAAGAGAAACAGTGTACCCTTGATGATGCTGTGAAAAAGG  
AGACCTCTGGCGACTATAAGCACTTCATCCTTGCTCTTCTTGGTAACCAAACCTGAGTAAAGCACTGCTTCTTG  
AATCCACAATAACATATATTACGTATGAGTGTTTAATCGGCTTGTAAGTAGTTGGTTTATTAAATAATAAGC  
TGCTTCGTGCTCTTGAGACTTGTTGTGTTTGTGAAGAATGCTTGGTTTTGTAAATGAGGACATATTTATATTAAT  
TAAGCTGTGTGTTGTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAGGGGGCGCCGGGCCCCGAAAAATTAAGAAAACCGCAAACCCGGGGGGGGGGGGGGGACCCAAATT  
CCCCAAAAGGGGGGGGAAAAACGGGGGGCCAGGGGGGGGGTTTTAAAACGGGGGGGGGGGAAAAACCC  
GGGGGGTAACCAAATTAACCGCTTGAGAGAAAACCCCTTTTCCCCGGGGGGGGGAAAAAAAAAAGGCC  
CGCCCCAATCCCCCTTCAAAAATTGGGGCACCGGGAAGGGGAAGGGGAGGCCCCGGGAGGGGCGAAAA  
AAGGGGGGGGGGGGGGGGGGTAACGGGAAGGGGGACCGAAAAATTGGGCGGGGCCAAGGGCCCGCCCT  
TTTTGTTTTTTCCCTTCTTTGCGGCCAGGTTGGGGGGTTTTCCCGAAAGGTTAAAAGGGGGGGGCCCTTT  
TGGGGTTCAAATTAAGGGTTTAAGGGCCCCCAACCCAAAAAAATTGGAAAAGGGGGGGGGTTTCAAGAGGG  
GGGCCACCCCCGAAAAGAGGGTTTTCCCCCT

>trans\_c\_41 AJ007701|Hevea brasiliensis hevamine A gene

TATATTACGATCTCCATTTTGGAGGATTATTGCATCAACACATTACATAAACGAGGAAATACAAGCATCTCCTA  
CCGAAAGATTCTTATATAGACATACTACACATTATTTATTAATTAGACTTTATATCATTCGAACTCACAAGT  
ATAGTTTCGTGTTTCACACACACACAATATATTAGACACTTCTGATAATTGTAGAACTATATCCTGTTTGTTGT  
CCCAATATCGTGACCACAACATTACTCCTCCATACCTTCGTGATCTTTTATCTTTGGAAGGATTTGTGAAGTCA  
ACACTCGAGGTGGAATGTATCCAATTCTGCAGCTCTCTAGCTGCTGGCAAGCCAAGGAAGATCTTCCCCGA

TCCCTTCACTAATGTTGTCCAACGGTTCACGATGCTATGATCTTATTAACGTTGCCAGCTTCATACTGGCATGG  
ACCATTGTTGTAGAACTGAACCCAAACGTAGTCAAAAAGGCCTGTGTCAAGGGCTTTGCCAAGAAACCTGTCT  
GGGAATGGACATTGAGGAGCAGCTGATAAGTACACTCGTTTGTGGCTTGTGCAACCTTTTAGGTACCTTG  
CAAGAAATTGCCAATTTGCCGTGGATCCGAGCTCGATGTCAAAGTCTATTCCATCCAACACCGCATTGCCCAGC  
GGGCGAGTGGATGATCGGCCACCAAGGTAGTTGTTGTAGAGATAGGTCGCAAATTTCTAGCATCAGCAGGG  
GAAGCCAGGGAGTAGCTCCGATACCACCTCCAATGGAGAGAAGAACTTTGATCCCTTTGCTTTGGCAGAACT  
TTATGTTTTGGCTGGCTATCTTGCAACCACCATTTGCCGGTTGCAATGTCCAGAGAGGTTGATCGACGGGGT  
GCGACCGCTGCCGAACCTGTTGAGAAAAGCAAGCATAACATACTTGATCTTCCTGTGGAACATGCTTCTCTTA  
GAGTTCCTTCAGCACCACTTTGGCCCAATAGATGGCAATGCCACCTCCATAGGAGGTTGAAACATGAGCCAA  
AAAAAGGAGAGATAGAATTAGTAAAGCCACCGTTTACCGAGAGAGAGAGAGAGAGAGCAAGAACCGAAATA  
TAGAGAGAGAGAAGAATATCTCAGAAACATTTTCCGAATTCTTCTTACCACCAATCTCACACCTAAAGATT  
GTTCTTCTCTTCTTCTCCCTAGATCTTCTGATTCACCTCCCTTCTCAAGTTTCAGCCATGGCTAACGCGGCAT  
CGGGTATGGCTGTTTCATGATGACTGTAAGCTTAAATTCTTGGAGCTGAAGACCAAGAGAACCTACAGATTCAT  
TGTATATAAGATTGAAGAGAAGCAAAAGCAAGTCACTGTGGAAGGTTGGCGAGCCAGGTCAAAGCTATG  
AAGACTTCACAGCCTGTCTTCTGCTGATGAATGCCGATATGCCGTTTATGATTTTGAGTTTCTGACAGAAGGG  
AATGTTCCCAAGAGCAGAATTTTCTTCATTGCTTGGTCTCCTGACACATCAAAGGTAAGAAGCAAGATGATCTA  
TGCAAGTTGGAAGGACAAGTTTAGAAGAGAATTGGATGGCATTCAAATTGAGCTCCAAGCTACTGACCCATCT  
GAAATGGATCTCGATGTTTTTAAAAGCCGTGCTAAATGAGGCTTCCTCGTTTTCAAACCTTCTGTGGTGTCTGT  
TTTACATTGTGAAATGATGTTATTAATTGCTGGGTTTATGGATGTGCTTTGATTACACATTGGGTTGTTTTAAG  
TTTTGTCTTATAGAATTGTGTCCATCTGGAACAATCTTCGGTCATTTTCCCCCTCCTTATATTGTATGATTTATCG  
TGTGGAATTAATGCAATATCTCCCTATGTAACGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTCCTTTTATTATGCA  
CAACACGTCTAAGATGATGTCTGACCTTTTGTTTAGA

>trans\_c\_42 XM\_002884625|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RabGAP/TBC domain-containing  
protein, mRNA

ATTGTCTCTGCCTTTGTAATTTCTTTTTGGGAAGAATCGATTTCTCCCATTTTTCTTTTTCTTCTTTTATAATT  
TTAATTAATGTAAGAGCCGACTCCAGAAGGCAATAAATTAATTGAATTTTTTTAATGGCGGATTTGATGGCAA  
TGGTGGGGAGTTTTTGGAGAACATTTCTTCTGTGTAGTTGTAGATTTTCTCCGTGGAAGTCTGGGGATAAG  
ACCCATTTTTGTGAAATTCAGGTACGCAGCCTTTCTAAAGCTCCAAATTAGACCAATTCTCATGGTTTGAAGCT  
GGTGGAGTTTCTTATCTGACGAAATCATTCAACCCTTTTGATATTAAGAACCAGAAATCACGAAATCCTTTTCT  
TTTTTTTTTTTTGATTTCTTGATCTAATTTAGATTAACCCACCAAGAAATGTTTGGGACTCAAAGCAAAGAGA  
TATTGCTTTAGAATTGCAAGCTCAGATTCCAATTCTAAGGCCGAGTATCCATGCGAGAAGGGCAAATATTACA  
GTTAAGTTTCAAGATCTATATGGGTTACAGTGGAAGGCAATGTGGACGATGTTAATATATTGAATGAAGTTA  
GGGAAAAGGTTAGGCAACAGGGTCGTGTTTGGTGGGCTTTGGAGGCTAGCAAAGGCGCTAATTGGTACTTAA  
AACCTCTGTTTCTGAAGGGATCGCCCTCAAATCCTCCCTCAAACATCAACGCTTGCTAATGCCATCATTGTA  
AGAAGTTGATTAGGAAAGGTATCCACCTGTTCTTCGTCCCAAGGTTTGGTCTCCTTATCTGGAGCTGCCAAG  
AAGAAATCCACTGTTCTGACAGCTATTACAATGATTTGACCAAGGCTGTTGAAGGGAAAGTCACGCCGGCCA  
CTAGGCAGATTGATCATGACTTGCCCGTACTTTTCTGCTCATCCTTGGTTAGACACTCCAGAGGGTCACGCT  
GCTCTTCGACGTGTTCTTGTTGGGTATTCTTTCTGACTCTGATGTTGGATACTGTCAGGGCTTAACTATGTT  
GCTGCATTGTTATTGCTCGTGATGAAAACAGAAGAAGATGCTTTTGGATGCTAGCTGTCCTCTTAGAAAATGT  
TTTAGTTAGTGAAGTTACACGACCAACTTGCTCTGGATGTCATGTCGAGCAAAGGGTGTCAAAGATTTACTTA  
CCAAAAAGTGTCAGGATAGCTGCCATCTGGAAGCATTGGATTTTGATGTCTCCCTTGTGCGCACTGAGTG  
GTTCTGTGTCTTTTCTAAGAGCCTACCTTCTGAGACGACTCTACGTGTTTGGGACGTCCTTTTCTATGAGGG  
AGCAAAAGTTCTGTTTCATGTGGCTTTGGCTATCTTAAGATGAAGGAAGGGGAGTTGCTTCTAACTCATCAT  
GTGGGAGATGTGATTAATATTCTACAGAAGACCACACATTACCTATTCGATCCTGATGATCTACTGACGGTAG

CATATGACAAAATTGGATCAATGACTACCAACACTATATCGAAGCAAAGGAAAAAGCAAGAACCAGCAGTTA  
TGGCAGAGCTTGATCAGAGATTGAGGCGATTAAATCCCTTAAAGCGGATGACAAATAAGATCCCTTCCATTC  
CAACCTATCAAGCCTGATCAAACTGTAACATTATAGCTATACACGACTTTGCTTCCCTGCCTGAGAGAGAGTAA  
AGTAAAACCAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAGAGAGCATCTGTTTTTCGATGGTGGTTGTAGCTTTAT  
AAAATGTAAATTACCAACGCTGTTAATACTTTTTATATATTGTTAATTACACTGCTTGACAGAGAGAGCATTGT  
GGGTTTCCCTTGCTCTATAATTTCTGTTCTGATTTAATGAGTAATCTCTCAATCGAATCAGATTTTTATTATTTC  
CGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_43 GQ848094|Gossypium hirsutum DREB1C (DREB1C) mRNA, complete cds

AAGGCGAAATTCATACTACGCTCATACACCCAAAAGAGGGAAAACTAATTTCTCTCCTCTCCCTTCTTTCTTT  
CAGTCTGCAATTATTATCTTCTGTTCAACTTCTTCCATTTTCCCCCTTCTCTAATTTCCCCGCTTCTCTGATTTCCC  
TTTCTGTCATCATCTTCTGTTTTCTACACCCACTTTTTGAAATTTGGATTTCTTTTTCTTTTTTTTTTTTGA  
TTCTGCATTTTGTGTTGTAGACCCAGAAGGCTGGTTCTTTGAAGTCAGGTGATTCTGAATAGGGATCCAGATTT  
CTCTGTTTCTTTGGTAAATATTTCTGTTTTGATCGGCTTCGAGGGTGTTTTTTTGAGTCCCTCAAGTTGATTGT  
CGAAACAACTTGTTTTCTTGTTCTGGCTTTTCTTCTCCTTTTCTTGAAGTAGAATTTGTTTTCTTGGGATCTTT  
TAACACTTTGTTTTGCTAGTTTTGTAAGTTTTTGACAATTCACATGGCAGCAGCTATAGATGTTTACAGTGGA  
CTTCAACGCCGTTCACTATTCGGATCCTTTTAGCGAAGAATTAATGAAAGCACTTCAACCTTTTATGAAAAGT  
GCTATTTCAACCTCTTCTCCTCCTCCTCTTCTTATTCTCCTTCTCCTTCTCCTCCTCATCCTTCTGTTTCTT  
CTCAGCCTAGATTAATCCCTGATTTTTGCTCCCGTCAAGTACCCGCTTGTTTTCTCAAGGGTCTCGGGAATTG  
AACAAATGGGTTTTGAGCAATCAGGTCCAATCGGGCTAAACAATCCCACCCCTTCTCAAATCTCCAAATCAA  
GCCCAAATTCAACTGCCCTACCAACTATGTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAATCCAATCCAATACCATAA  
CTTCCTTACCCCCAAATCTTTCCCATGAAACACATCGGCTCTCCACCTAAACCTACAAAATCTATAGGGGAGT  
CCGGCATCGGCACTGGGGGAAATGGGTGGCTGAAATCAGACTCCCCAAGAACCGAACTAGACTCTGGCTTGG  
GACCTTCATACGGCCGAGGAGGCTGCTTTGGCCTATGATCAACCTGCTTATAAGCTCCGTGGGGACTTTGCT  
AGGCTCAATTTTCCACATCTCAAACACCAATTCGGTGACTTCAAACCTCTTCATCCTTCTGTGGACGCGAAGCTT  
CAATCAATTTGTGAGAGCTTGAAACAGGAGAAAAACAGAGGTCTGTTCTGTTGAGGATGAAAAACCAACGACC  
ATTCCAATTCCATCCGAATCAAATCAACAGTTAACAATTTCTGGGAACCAGAACTGAAAAGCGATGGAAACC  
TCATTTTCATCTTCATCCTCATCTCCTTACGGTCTGAAGATTATCCACTTCCACCGGATCTTCCCCTGATTCAA  
GTATCAGTTTCTTGGATTTTTCAGATTCTCAATGGGGTGAAGGAGTAGAAGCATTGTTTGGAAAAGTTTCCT  
TCCATCGAAATCGATTGGGCAGCCCTGAGTCAGCTGGCCGAATCAGAGTGTTAATTAGTAATGTTTTCAATGT  
AATTTGTGCTTTTTGATAATGTTTGTCAACTTTGTTACAAAGATTCTGCAATGAAATTTTAGGCATTTGCAGAGT  
TCTTGTGTTAAAAAAAAAAAAAGTTTAGGAGTCAGTCCATGAAAAAGAATCCTCTTCAAAGAGATTTGTAG  
TTCGTCTTTAATGGGTTGTATTCCATTTGGTCTGCAGGTTGTTTTTCTTCCCTTGCATGGCCATTTTGGATGTT  
GAAAAAAAAAGATGTAATTATGCATTTGTGTTTTAATACACATGCTGGTCTCCTGTAGTCCCTTCTCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_44 Z28386|R.communis mRNA for enolase

AATTGCAATCAAACCACAACTCTCTACTGATCTGCTGCTGCTGCTCCCCATTTCTGTAGATCTAAACTTTTTAT  
CTCATTCCAAATGGCTACAATCCAATCCGTCAAGGCTAGGCAGATCTTCGACAGCCGTGGAAATCCCACCGTC  
GAGGTCGATATCGTGTGTCTGATGGAACCTTGCCAGAGCAGCTGTTCCGAGCGGTGCATCTACTGGTATTT  
ACGAGGCACTTGAGTTGAGAGATGGAGGATCTGACTACCTCGGCAAAGGTGTTTCGAAGGCTGTTGAGAATG  
TCAATGCTATTATTGGCCCTGCATTGGTTGGAAAGGACCCAATGAGCAGGCTCAGATTGACAACTACATGGT  
TCAACAATCGATGGAACCGTTAACGAGTGGGGATGGTGCAAGCAAAGCTTGGTGCAATGCCATACTCGC

TGTGTCTCTTGCTGTCTGCAAAGCTGGTGCTAGCGTGAAGAAAATTCCTCTTTACCAGCACATCGCCAACCTTG  
CTGGTAACAGCCAGTTGGTTCTTCCCGTACCTGCATTCAATGTCATTAATGGAGGATCGCATGCAGGAAACAA  
GCTTGCAATGCAGGAGTTCATGATTTTACCAATTGGAGCTTCTTCATTCAAAGAGGCCATGAAGATGGGAGTG  
GAAGTTTACCACAATTTGAAGTCTGTCATCAAGAAGAAGTATGGGCAGGACGCAACAAATGTTGGTGATGAA  
GGTGGATTGCTCCTAACATTCAAGGAAAACAAGGAAGGTCTTGAATTGCTAAAACTGCCATTGCCAAAGCTG  
GTTATACTAGCCAGGTCGTTATTGGAATGGATGTTGCTGCATCTGAATTTTACGGATCAGACAAGACCTACGA  
TTTGAACCTCAAAGAGGAGAACAATGATGGGTACAGAAAGATTTTCAAGGAGATGCTCTCAAGGACCTCTACAA  
GTCCTTTGCTCCGAATATCCTATTGTGTCTATCGAAGATCCATTTGACCAAGATGACTGGGAGCACTACTCAA  
AGATGACCAGCGAAATTGGAGACAAAGTACAAATTGTGGGAGATGATCTCTTGGTCACCAACCCCAAGAGAG  
TGGAAAAGGCAATCAAGGAAAAGACTTGCAATGCCCTTCTTCTCAAGGTTAACCAATTGGATCTGTCACGGA  
GAGTATTGAGGCTGTAAAAATGTCCAAACGTGCTGGTTGGGGAGTAATGGCCAGCCACCGAAGTGGAGAGA  
CAGAGGATACTTTCATTGCTGATCTCTGTTGGCTTGGCAACGGGCCAAATCAAACTGGTGCTCCATGCAG  
ATCAGAACGTCTTGCTAAGTACAACCAGCTGTTGCGTATCGAAGAGGAGCTTGGCTCAGCAGCAGTCTATGCT  
GGAGTTAACTTCCGCAAGCCTGTTGCACCGTACTAGGAGGTCACACTGGACCGGAGGAGTGGTGAAGGTTTT  
CAATCGATCTCAGTAATGCAGTGAATAAGTGTTCGGGACTGGTTGTTTTGTCGAATTCAGAGATCCCTTTTTC  
CCCTTAATAATTTAGAAAAGTTTTGTTCTGAGAGGTTGAACCATAGTTTCGAGAAGTTTTAGTAGGAAGACAT  
GATATTGACATGTCTGATCCATCGGTAGTTGCATAGACTTAATTTTAATGAATGAACGAATGAATGAGTGCCT  
TCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAACAAAAAAACCCAGGGGGGGGGCCCGGCCCAATTCCCCTAAAAAGGGGCCCAATTCGGGGGGGGCCC  
CGGGCCCCCTTTTTCCCATAGGGGGGGGGAAAACCCCGGGCCTTCCCCCTTATTTTC

>trans\_c\_45 NM\_102845|Arabidopsis thaliana UDP-N-acetylglucosamine pyrophosphorylase-  
related (AT1G31070) mRNA, complete cds

AAGCTCAAAACCGAACCTACACCGACACTCCAAATCTCAATTATCATTATTCACATTTTCCTTCACAGA  
TCTCTCACTTTTCTGTTTCATGGCGGAGCCAATGGCTGTGGTTCGTTTCGATGCCAATGCGCCGTTGACGCCAC  
AGCAGCAACCGCCACAGCAGCTGCTTCTTCAACAACCACTCAGGCTTTGCTTGAGCGCCTCAAGGATTACGG  
CCAGGAGGATGTTTTGCTCTTTGGGATGAGCTCTCCATGAAGAGCGGGACCTTCTGTCAAAGATATTGAG  
AGTTTGGATCTTTCCAGAGTAGATCGAATTATTCGATGTTTCGTTCTCAAGGGCTACCTGCGGCTGCAAT  
TGAACCCGTACCAGAGAGTTGCGTGTGACGCTGGAGGAGCGAACCTTGACGAAAGAGAGAGATGGTGGA  
AGACGGGGTTGAAGGCCATCTCAGATGGAAAGTTGGCTGTTTTGCTTTTATCTGGTGGTCAGGGAACCTGGCT  
GGGCAGTTCTGATCCTAAAGGATGTTTCAATATTGGACTTCCATCGGGGAAATCCCTTTTCCAACCTCAAGCTG  
AGAGAAATTTGCGCGTTCAAAGATTAGCTGCCAAGCTGCAACTGATAATTCTATCAGTTCTGCTCAATTCAT  
TGGTATGCGATGACCAGCCATTTACCGATGAGGCCACTCGCAATTTTTTTGAAAGTCAGAAATATTTTCGGTTT  
GGAGGCTAATCAAGTCACCTTCTTTCAGCAGGGCACCATTCTTGTATATCCAAGGATGGTAGATTTGTGATG  
GAGACACCATACAGGGTATCTAAGGCTCCAGATGGGAATGGAGGAGTATATGCAGCTTTAAGATCCTCACAC  
TTATTAGAAGATATGTCAGCAAGAGGGATTAAATATATAGACTGCTATGGAGTAGACAATGCATTAGTTTCGCG  
TGGCTGATCCAACATTCTTGGGTATTTTATTGATAAAGGTGTATCTGCAGCAGCCAAAGTTGTTTCGCAAGGCA  
TATCCCAAGAGAAGGTTGGCGTATTTGTCCGACGAGGTAAAGGGGGTCCGCTCACTGTGGTTGAGTACAGT  
GAATTGGATCCGTCACTGGCTTCTGCTATCAATCAAGTAAGTGGGCGCCTCCGTTTCTGTTGGAGTAATGTGTG  
TTTACACATGTTTACACTGGATTTTCTAAACCAAGTAGCAATGGTCTTGAAAAGGACAGCATCTACCATCTGG  
CGGAGAAAAAATTCCTTCATTCATGGTCAAACGATGGGACTAAAAATGGAGCAGTTCATATTCGATGCATT  
TCCCTATGCTCCTTCTACTGCATTATTTGAGATCTTACGAGAAGAAGAGTTCGCACCCGTGAAAAATGCCAATG  
GGTCAAATTTTGACACTCCAGATAGTGCTAGACTTCTGTTCTCCGACTTCATGCTCGGTGGGTGGTTGCAGCT  
GGAGGATTCTTAACACATTCAGTGCCCTTATATGCAACTGGGGTGGAGGTATCACCCTTTGTTTCGTATGCTG

GAGAAAATCTAGAAGCCATATGCCGTGGAAGGACATTCCACGCACCTTGTGAAATTTCTTTCTAGTACGAGTC  
AACCTTTCAAATTTTTATTTGTGAGTCATCGGCTTTATTATTTTAGAGTTAGCATCGAAAATGAGGTTCTGACTT  
CGTTTTACATTTGTGAGATATAGTGTGCATTATTTATTGCTTTGTGACATCCAATAAGTGTTTCTCCGTTGTGT  
AATATTATATTTCCCTAAAGACCATCTAAATTTGTGTGTGGTTTTACTTTTTAGTCACCATTCTTCTAATTACTAT  
CACTTCACCCGATACTCCAAATGTACGTAATTAACACTCATATGGTACCATATTTATAGCCATTGGAAATAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_46 DQ335779|Medicago truncatula cytochrome P450 monooxygenase CYP51G1  
(CYP51G1) mRNA, complete cds

ACGATTCCACTTTCCTATCAATTCCCTCTCCTACTCTCTCTCTCTGTTTCTTCTTCAATCTCAACCCCATTCCTG  
GGAAGATCTTCCAGGTCCTTTGCCATGGAACCTGATAACAACAAATTCTTCAATGTGGGTCTTCTTCTTCTCG  
CCACTTTACTCCTCGCAAAGCTTATTTCCGCTCTTCTCAATTCCAGATCTAACAAACGGGCTCCTCCCACTGTTA  
AAGGCATCCCCTTTATTGGGGGATTGCTCCGTTTCCTTAAAGGTCCGATTGTGATGCTGAGGAAGGAGTACCC  
CAAACCTGGGAGTGTTTTACCGTTAACTTATTGCATAAAAAAATTACCTTCTTGATTGGCCCTGAGGTTTTTG  
ACATTTCTTCAAAGCATCCGAGTCTGATCTTAGCCAGCAGGAAGTTTACCAGTTTAAATGTCCCAACTTTTGCC  
CTGGCGTTGTGTTTCGATGTGGATTATCCATTCTGTCAGAAGCAGTTTCAGGTTCTTCACTGAGGCTCTCAGAGTC  
ACAAAACCTGAAAGGATACGTAGATCAGATGGTTAGAGAAGCAGAGGATTTCTTCTCTAAGTGGGGTGACAGT  
GGGGAGGTGGATCTCAAGTATGAGTTGGAACATCTTATCATCTTAACAGCTAGTAGATGCCTTTTGGGAAGTG  
AGGTTTCGTGATAAGCTTTTCGCGGATGTTTCAGCTTTGTTTCATGACCTTGACAATGGAATGCTCCCAATCAGT  
GTTATGTTTCCCTACCTTCCCATCCCGGCTCATCGTCGTCGTGATCAAGCACGCAGCAAGCTTGCGGATATCTTT  
GCAAAGATCATAGCTTCCAGAAAATGCAATGGGAGTTCAGATAATGATATGTTGCAATGTTTTATCGACTCAA  
AGTACAAAGATGGGCGGTCAACAACAGATTCCGAAGTCACTGGTTTGCTCATAGCTGCTCTTTTTGCAGGTCA  
ACATACTAGTTCTATTACCTCAACTTGGACTGGCGCTTATCTCCTATGCCACAAAGAGTACATGTCTGTCTTAGA  
GGAACAGCAAAGGCTGATGGGTAAGCATGGCGACAAGATTGATCATGATATCTTGTCTGAAATGGACAATCT  
CTATAGGTGCATTAAAGAAGCTCTCAGACTTCACCCTCCACTGACTATGTTGATGCGAAGTTCGCATAGTGATT  
TTAGTGTTACAACAGAGAAGGGAAAGAATATGATATCCAAAGGGTCATATAATTGCCACATCTCCAGCTTT  
CGCTAACCGACTTCCTCATGTGTATAAGGATCCCGACAGGTATGATCCAGACAGGTTGCCCCCTGGGAGAGAT  
GAAGACAAGGCGGCTGGACCATTCTCTACATCTCGTTTCGGAGGTGGTAGGCATGGGTGCCTCGGCGAACCC  
TTCGCTTATCTACAGATAAAAGCAATATGGAGTCAGTTGCTAAGAAATTTGAACTGGAGCTAATATCTCCTTT  
TCCTGAAATTGATTGGAATGCTATGGTTGTGGGTGTCAAAGGGAAAGTTATGGTCAGGTACAAGAGAAGGAA  
GCTTTCAGTTAGTTAATGGGAAGAACGTTCAAGTCTTTGTAACTTAACCGATTTAATTATTGCTGGGATGTT  
TGTTTTTTTCTCCCCACCTCCACCAACTTCATTTATGCAATTCTTCAACCGTTTGTGCTTCTAGGAGGTTTCTAT  
CATCGAGTTTGACCATAGGTCCCTTTCAGTGTTAAATCTAATTTATGTTAGTTTGTAATATCGTTTTGTTATTGTT  
AACCATTTAAATGGGTGTTTCTGCATTCTAAGTTTATTAGAACCTCTAAGTTTCTCTCATAGCGGAAGCTCAA  
AATACAGGGTGTCTTGCATGCTCAGATGAGAGAACATAATACAATCAAATCGAATTTTCATGGCCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_47 NM\_105206|Arabidopsis thaliana CBS domain-containing protein (AT1G65320)  
mRNA, complete cds

ATACCTTCAAGTTTCCACATCACTCGTTGATTGCCAACTCTGTTTTGCCTCCTCCTTCTTCTTCTTCCCAATAATTC  
AATATTCACATTTTTTCTCCTTCTCTTGTCTCTTCTAATCACCAAAATGACCGTTTCTTCTGCCTTGATTGA  
TCAAGCTACCACTCACTGTTTCTTCTTCTTGTGTGTTGGTGGTGGGTTGAGCTGATTGGTCGATTT  
TTCATGGGCATTAACTTTGTACCTTCTTCCACCTCCTTCTTCTGTTCTTCTATCATCAATGGCGGATTATTC  
CCTCTTCTCCTCGTTTTTGAGTCTCATAGATTGCCTATTACTCGATTTGATCTTTTGCTTATCTTACTTCATTCCC

TTTTATAGCTTTTGCCTCTTTCACCGGGTTTTCCGGTTTTCTCTCTGTCTACCGTTCAGTTCCTCGAGATTTTTTTAG  
AGTTAACGAAGCGAACCTCGAGAGGTGAAGAGTTATCATGGCATCTGTGTTTCTGTATCATGTGGTTGGGGAT  
CTGACAGTAGGAAAGCCAGAGATGACGGAGTTTTATGAGACGGAGACGATTGAAACAGCGATTAGGGTGAT  
CGGAGAGTCGACGGAGTGTGGGATACCAATTTGGAAGAGGAAAACCTCATGTGGGAATTATTGAGAATGCTG  
AAATGAAACAGCAGAGATTTGTGGGAATTCTCTCTTTGGATATTGTTGCATTTTTGGCTCGAGCCGAGAAT  
CTAGAGGATCAAGAAAGGGCAATGAAGGCCCCGGTTTTCGGAGGCTGTTGTTGCCAATTATTCATTGTTGAGG  
CAGGCGGATCCTGCAACAAGATTGATTGACGCATTGGAAATGATGAAGCAAGGCGTGAGGCGTCTTCTAATC  
CGAAAAAGTGTGGTATGGAAAGGAATGAGCAAACGGTTTTCTATTCTCTATAATGGTAAGTGGTTGAAGAAC  
ATTGATAACCCTGGCAATAGCAGCAATAACCTCAATTTAAGTCCTAACCGCCCATCATCGTCTTCCACATCCACC  
GGTCACGATAAGTTTTGTTGTCTCTCAAGAGAAGACGTCATCCGTTTCCTTATTGGTTGCCTCGGTGCCCTTGC  
ACCTCTCCCTCTTCTCCATCTCTACTCTAGGAGCCATCAACCCAACTACTGCTCAATTGATGCCTCAACCCCT  
GCGATCGATATTTCTCATAAGCTTCTGATGATCCTGTTGCAGTTGCTGTTGTAGAAAACATACATGACAATCA  
ATACAGGATAATTGGAGAGATTTGAGCCTCCAACTCTGGAAATGCAATTACTTGGCTGCTGCTTGGGCTTTA  
GCCAATCTTTCTGCTGGGCAGTTTGTGATGGGAGTAGAAGACAACATGACCTCACGAATGGTCCCCGATCTAT  
CCGCTAATGGTAACGTTGGTGAGAACGACTCGGCAAATGGTGGTGGAGCAACTCGGGCAAGGAAATTCAGC  
AGTAGAAGTATTGGATTCAACCCGTTGAGCCCAGCATTGAGGATCAGTCGGAGCATGTACCGGGGAAGAAGT  
GCTCCCTTGACATGTAAAGTAACAAGTTCATTGGCTGCCGTTATGGCTCAGATGCTTTCCCATAGGGCAAGCCA  
TGTTTGGGTTACTGAGGATGAAAATGATGATATTTTGGTTGGAGTTGTGGGCTATGCCGATATTTTAGCTGCT  
GTTACTAAGCAGCTACGTCGTTTATACCGGCTAATCGATCCTTTGAGGCGCTTGAAAATTCTATTCAAAGCTA  
ATATTTTTCTCTCATCAGATTCTACTGCTCTTTGTACTTACTATACTTATATATAGATGTGTATACTGCTCTAAATT  
TTTTTGACAATTATTGTTAATGGAATTCCTCTCTCCACAAAACAACATTTTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_48 AJ293275|Medicago sativa subsp. x varia mRNA for MAP kinase kinase (PRK gene)

AATTCTCTCTCTCTACAAATCATAGAATCATCGCAAAAAGCTTCAATTCCACACACGGTTGTAGTCTGAAAG  
AGATCAGCCATCAATGAGGAAGGGAGGCTTCAGCAACAACCTCAACCTCAAGCTCAATCTTCTAAAGAAGA  
GCAATCCATAGCGACGTTTCTAACGCAGAGTGGTACGTTTAAAGATGGTGATCTGCTTGTAACAGAGATGG  
GGTTCGGATTGTTTCTCAAAGCGAAGTTGAAGCACCACTCCGATTAAGCCTACAGATGATCAGTTGAGTTTA  
GCAGACATAGACATTATTAAGTCATTGGAAAAGGAAATGGTGGTACTGTGCAATTAGTTCAGCACAAATGG  
ACTGCTCAGTTTTTTGCATTGAAGGTAATTCAGATGAAAATTGAAGAGTCTCACCGCAAGCAGATTGCACAAG  
AACTGAAAATCAATCAATCAGCGCAGTGCCCTTATATTGTTGTCTGTTACCAATCTTTTTATGATAATGGATCAA  
TATATATCATCTAGAGTACATGGATGGAGGATCTTTAGCAGATTTTTTAAAAAAGGTTAAAAAAATTCAAGA  
GCCATATCTTGCTGCCCTTTGTAAGCAGGTGCTGAAGGGGTTGCTTACCTTACCATGAAAGACACATCATCC  
ATAGGGACTTAAAGCCTTCAAATTTATTAATAAACCATAGAGGGGAAGTCAAGATTACTGACTTTGGTGTGAG  
TGCAATTATGGAAAACACATATCAAGAGGCTAATACTTTGTTGGCACGTATAACTATATGTCCCCAGAGAGA  
ATTGTGGGGAGAGGGATATGACAATAAAAGTGACATTTGGAGCCTGGGTCTGATATTACTTGAGTGTGCAAC  
CGGAAAATTTCTTATTCTCCACCTGGGCAAGATGAAGGATGGGTTAATTTTTATGAGCTTATGGAAGCCATTG  
TTGAAGGCGAACCTCCTTCTGCTCCAGCCGACCAATTTACTCCTGAATTCTGTTCAATTCATTTCTGCATGTGTGC  
AAACAGACCCAAAGAATAGACTGTCAGCACGTGAACCTTTGGAACATCCTTCATCAAGATGTATGAAGATAG  
GGATATTGACCTATCATCTTACTTCAATGATGCAGGATCTCCACTTGCAACTTTCTAAATTTTATCTGTTGATCG  
TCTCTGGCTCGTACATTGGAATCTTATTTGTTTGTGCTGCTTGAAGGATGGACGAGGAATATGCTGGGATCTCG  
GTTTCTCATGAATGCTGCTTGTGTTTACTTCAGTTTGTGTCTTAATGAAAGAGGTTTCAATCAAACTGGATGATA  
TAGTTGTTCTATGCTGGTCACGAATTTGGATGGTTCTGATCCTTCTGTGGATGGTTCAGAATGCTAAACGGG  
ATATCATGTTGTGTAAAGAGATTTCAAATCGTGGCCATTTCTTGTAAATTTTGAATCCAATTCTACCGCTACT  
CATGTAAAATTTGAAGAATCAAAGGAAAATAAATACATATTGTTATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG  
GGCCCCCGCCCCCAAAAAATTTAAAAAACCCCCAACCCGGGGGGGGGGCCCGGAACCCAATCCCCCAA  
AAGGGAGGTAAAAAACCCGGGCCACGGGCCGCTTTTAAAAACGCCGGGAGGGGAAAAACCCGGGGGTA  
ACCCAATTAAATCCCCTGGGAAAAAACCCCTTTTCCCCAGTGGGGGAAAAAGAAAAAGGCCCCCCCAATC  
CCCCTTCCCAAATTGGCCCAACCGAAAGGGAAAA

>trans\_c\_49 AJ006228|Nicotiana tabacum mRNA for Avr9 elicitor response protein

TGATTAGCGTAAACCAAGCAATGGCAATTCTTCCTTCGCAGCCTAACTTTGACACTTCTGACCTCCAAAAAC  
GCGCCTAATTCTTCTTCATGACGTTACGTTTCACAAGCCCCCAATTTGATTCAACTTTCTTCATTCCATTAACC  
CCATAAAAGTCTTTGTTCAATTTCTCCAGTTTTCTTACTCGGGTCGTCTCTCTTTTGCACCAAAACAAACAAA  
CAACAAACCATAAAACAAATGAAGAGCCGTGGCACTAGAAAGATTTCTATTATATGGGTTCTTTCTTTTGTTT  
CTCTTTCTCTTTTTCGGTATGCTCATCACCAACAGAATATGGTCGGTGTCTGAATCCAATGGTCAGGTCATCTC  
CCGTCGTCGACATGAACAAGAACTTCAATCGTCTCTGAAGATAGCTCATTTAAGATTCCAGCGGAAAAAAG  
GATGTAATGACCGAAGTTTATAGAACTCAAGAAGCAATCCAATCTTAGACAAGAAGATTACAATGCTTAACA  
TGGATTTAGTGGAGGCTAGAAATTCTAGGGGGATGCACTCCTCTGATAGCCGCACCCCCTCTATTGAATCCAG  
CGGTAAAAATAATCTGCCGAAGAAGAAAAATGTTAATGGTGATTGGGATAAACACCGCTTTTAGTAGCAGAAG  
GCGTCGAGATTCAATTAGAGAGACGTGGATGCCACGAGGGGAAAAGCTGTTCCAGTTGGAGCGAGAGAAGG  
GGATTGTTGTCCGTTTATGATTGGCCATAGCGCAACTTCCAACAGCATTTTAGATCGTGCAATTGATTAGAA  
GATGCGCTGCATAAAGATTTCTTAGGCTGGAACATATTGAAGGGTATCATGAATTATCTGCAAAAACAAAAT  
CCTTCTTTTCCACTGCCGTTGCTAAATGGGATGCTGACTTCTATGTCAAGATAGATGACGATGTCCATGTAAAT  
TTAGGGATGCTAGCTACTACTCTTGCTTACCACCGTTCGAAGCCCAGAGTGTATATTGGGTGCATGAAATCTG  
GACCTGTTCTTTCTTCAAAGAGTGCCAAATACCATGAGCCTGAATACTGGAAATTTGGAGAGGAGGGAAATAA  
GTATTTAGACATGCAACTGGACAGATTTATGCAATCTCAAAGGATCTAGCCACATACATTGCAGTCAATCAGC  
CAATTTTGACAAATATGCCAATGAAGATGTGTCTCTTGGTGCTTGGTTAATAGGCCTTGAAGTCGAGCATATT  
GATGACCGCAATATGTGCTGTGGGACGCCCCAGATTGTGAGTGGAAGGCACAAGCAGGAAATGTATGTGTT  
GCCTCATTTGACTGGAGTTGCAGTGGAAATATGCAAATCTCTGGAGAGAATCAAGAGTGTCCACGAAAAGTGT  
GGTGAAGGCAATGGGGCTGTCTGGAGTGCCTTAATCTAGTGTTAGCTTCTGTTGATCTACTTGGGTTTTTGAC  
ATTATTCACCTGTGGTCAGAAAAAGCTGGAGACTGTTTGGGAGTTGAACTGGAGATTAAACATTATAAAAAACA  
ATGCAAGTAGAACCTTGAAGAAGCTATATACAAGCGTGTGGCGATTAAATGGATTAGTAAGATTGTGTGGA  
AAATATTCATATTTTCAAGAAAAGAAAAAAGGGAAAAAAATTAGTTCCTTCTCGAAGCTTCCAATTTGTTGGC  
GTGAGTTAAATTCATTGGTACCTCTGTTACTTTCTTAGTTTTCCCTTTCTTAGTTAAATCCAATTTATGTATTACA  
GCCAGTGTATTATGTATTTTAGGCATCATTTGATTTCCCCTACAAGGTTGGGTTCCAGTCATTGTGTCAGATT  
CTGTTTATGTAAACATTTCTTGTATAGTCAAATAAATAAAATGAAATTGTTTGTGATAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_50 DQ001726|Citrus sinensis pyruvate decarboxylase mRNA, complete cds

GGAGCAAGCGATGTGTTCTCTGTTCTGGGGATTTCAATTTGACCCTTTTGGATCACTTGATCTCCGAGCCCCA  
ACTCAACTTGATCGGCTGCTGTAACGAGCTCAACGCCGGCTACGCTGCCGATGGCTATGCTCGTGCCAAGGGC  
GTGGGTGCATGTGTGCTCACTTTCACTGTCGGTGGTCTTAGCGTGTTGAACGCTATTGCTGGTGCTTATAGTGA  
GAATTTGCCTGTGATTGCAATTGTGGGTGGCCCAAATTCGAACGATTATGGTACTAACAGGATCTTGCATCACA  
CAATTGGGCTTCCTGATTTACCCAAGAGCTTCGATGCTTTCAAACAGTCACCTGTTACCAGGCAATTGTGAAT  
GATTTGGATGATGCGCACGAACAGATAGATACTGCGATTTCAACTGCTTTAAAGGAAAGTAAACCTGTTTATA  
TCAGCATAAGTTGCAATCTTCTGGAATCTCTCATCCAACCTTTTCTAGGGATCCTGTTCCCTTCTTCTTCTGCGCC

GAAGGTAAGTAACCAATGGGGGGTGGAAACCACCAGTNAAACCACTGCCAATTTTTCTGAACCAAAGCCATG  
AAACCCAGTGATTGTGGGAGGTCCCCAGGCTTAGAAGTGGCCAAAGGCCAACGGGGCGTTTCGTCGAGCTT  
GCGGGATGCAAGTGGATATCCGATCGCCGTTATGCCGTCTGGGAAAGGGCTGGTGCCAGAGCACCATCCACA  
GTTTATAGGGACGTATTGGGGCGCTGTGAGCTCCAGTTTCTGTGGGGAGATAGTTGAATCAGCTGATGCTTAT  
GTCTTCGTTGGGCCAATTTTCAATGATTATAGCTCTGTTGGGTACTCTTTACTTGTCAAAAAGGAGAAAGCTGT  
GATGGTGAATGTGAACCGCGTGACCATCGGCAATGGGCCATCATTGGCTGGGTTTTCATGGCTGATTTTCTA  
ACTGCATTGGCCAAAAGGTTGAAGAAAAACCCCACTGCTCTTGAGAATCATCACCGAATATATGTCCCTCCTG  
GACTGCCTCTCAACTATGCGAAGGACGAACCTTTACGAGTCAATGTTCTCTTCAAACATATTAGCAAATGTTG  
TCCGTAACACTGCGGTAATTGCTGAAACTGGTGATTGTTCAACTGTCAGAAGCTTCGTCTCCCCGAAAAT  
TGCGGCTATGAATTCCAAATGCAATATGGATCGATTGGATGGTCAGTTGGAGCCACTTTGGGATACGCTCAGG  
CCACTAAAGATAATAAGCGTATAATCGCCTGTATTGGTGACGGGAGTTCCAGGTTACGGCTCAAGATATTTT  
AACGATGATTAGATGTGGGCAAAGGAACATCATCTTCCTCATCAACAATGGCGGATATACAATTGAAGTAGAA  
ATTCACGATGGTCCATATAACGTTATCAAGAACTGGAATTATACAGGTTTGGTTGACGCCATCCACAATGGTG  
AAGGAAAATGCTGGACTGCCAAGGTACGAACAGAGCAAGAACTAATAGAAGCAATTGCGACAGCGAACAAT  
GAACACGAAGAATCTTTGTGTTTCATTGAAGTTTGGTACACAAAGATGACACGAGTAAAGAACTACTAGAAT  
GGGGCTCTCGTGTGGCTTCTGCCAACGGTCGCCCTCCAAATCCTCAATAAGTGGTTGTTGTAGAGTAACATCA  
AGGGTGAATAAAGAGAATAAAAAATAGCAAAGTTTTTCATTGATTGTATGCTGTGTTCAAATGAAGAGTTTATA  
TTATCCATTTGACTTCTCTTGTGTCATCCACATGATGATTACCGCATCGGAACAAAGAATAATAAAAAATAATA  
AACCATGAGTATGAGTGTTCACATAGAGGCATTGAAAATATAATTAATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_51 AF099501 |Cucumis sativus chromoplast-specific carotenoid-associated protein  
CHRC (CHRC) gene, complete cds

AAAGATTTTTAAACGTAAGCTGTTTAAAGTAAATCCCAGTCCTTCAGTTTGTGCTTTTGTGTGTTTGTCTC  
TGATTTACGCAAATTGGAAACAATCCAATGGCGTTTGTCTCAATTCAATCAACTTCCGTGCAAGACTCTCGC  
ACTCAATCCACCGCAGCCTCAATTGACTTCTAAGCCTTCGATTTTCCCATCGCTTCGATTGGGGCCGGCGCCA  
GAGCCGCGGGCGGGGAAGTCACTGATTTAGTACCTTCGTTCAAGGTCCGTGCGGTGTTAAACGATGACG  
AGTGGGGGGGAGGAGAAGGAGGAGAAGTATGGAGATGGTTCGGCTGTGGCGGTAGCTGAAGAGGAGGAGG  
AAAAGCCTATGGAGCCATCGGAGATTTATAAACTGAAGAAGGCGTTGGTGGACTCGTTTTACGGGACCGATC  
GTGGATTACGAGTGTGAGAGATACTAGGGCGGAGATTGTCGAGCTGATTACGCAACTGGAATCGAAGAACC  
CAACGCCTGCTCCTACTGAGGCCCTGACTCTGCTCAACGGCAAGTGGATTCTACAGTACACATCTTCTCGGGT  
CTGTTCCCATTTGTTGTCTAGGAATACATTGCCATTGGTCAAAGTTGAGGAAATTTTCGAGACAATTGATTGAGA  
GAACCTCACCGTCCAAAACCTCTGTTCAAGTTTTCGGGTCCTTAGCCACCACTTCCATTACTACCAATGCAAAGTT  
TGAAGTTGCAAGTCCCTTGCCTGTACACATCAAGTTGCAAGAAGGTGTCATTGGAACACCCCAGCTGACGGAT  
TCGATAGTGATACCAGATAATGTGGACTTTCTTGGGCAGAAGATTGACCTTTCACCATTCATGTTATCATATC  
TTCCATTCAAGACACTGCTTCAAATGTAGCCAAGACGATTTCTAGTCAACCACCACTCAAGTTCTCAATCTCAA  
CACGAAGGTAGAGTCTTGGTTGCTAACTACTTATCTTGATGAAGATCTTCGAATTTACGAGGAGATGGTGGT  
AGCGTGTTCTGACTCCTCAAGGAAGGCAGTGCTCTTATCTCCCTAAACACCCTTACTCTTCTACTATAAAGG  
GTTTCGTAGGAACTGAATTATTATCAAGAATTTGTTAAACATGTTGTAGTTTCTTATCAAATAGTGTGATATT  
GCCTTCCGTTCAAATGGCCAGCTTCAATTAGCCTTGCTTCTTTTAAATCATCAGTCACTTGAATTTCTGTTGGG  
AAAAATAACATTATTAATTTGTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAAACCTTATCAAACCCCCAACCCCGAGGGGGGGCCCCGAACCCAATTCCCC  
CAAAAAGGAGTCGAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACCCCGGGACGGGAAAAACCCGGGGGT  
TACCAATTTAACCCCTTGCAACAAACCCCTTTCCCAAGGGGGGAAAAAACAAAAGGCCCCCCCCCAATC



CCCCTTCCCAAATTTGCCACCTGAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGAAACGCCCCATTAAGCGGGGGGG  
GGGGGGGGGTTACCCCCAACGGGACCCCTACATTTGCCAGCCCCCTAACCCCCCTCCTTTCTTTTTTCCCTT  
CTTTTCTCCCCACGTTCCCGGTTTTCCCGTAAAGTTCAAAATCGGGGGCCCCCTTAGGGTTCCAATTTAGTG  
CTTTACGGCCCCCCCCACCCCCAAAAATTTAATTAGGGTGAGGGTTCACGTAGGGGGCCACCCCCCTAAAAAC  
GGTTTTTCCCCCTT

>trans\_c\_52 NM\_202602|Arabidopsis thaliana MPK9 (MAP KINASE 9); MAP kinase (MPK9)  
mRNA, complete cds

AGTTGACGCCAGATTTAGTTTAGGCCAGAGTTTGTGGCGCTGATGATTGGCCACCGAGAAAAATCTCCAAAGAT  
GAAGAAGGGAAAAATGGTGGGAATTCAATGGCAGAGAGCTGAATCAGAACCGATGAATGCTGGTTTTATATGG  
GTGATAAGCAATCAGAATTTTTCACAAAGTATGGAGAAGCAAGCCGATACCAAATCAAGAAGTTATTGGGA  
AAGGAACCTACGGAATTGTTGGTTCTGCCGTAGACACCCAGACTGGTGAAAGAATTGCCATCAAGAAAAATA  
ATGATGTGTATAAGCATGTATCTGATGCCATACACATCCTCAGAGAAATTAAGCTTCTCCGGATGCTTCATCAT  
CCAAATATTGTAGAGATAAAGCATATTATGCTTCTCCCTCACACGAGAATTCAAAGATATATATCTTGTTTTT  
GAGTTGATGAAGTCTGATCTTCACCATGTAATTAAGACAAATAATGATCTTTCTCCCCGGCAGCATAAATTTT  
CCTGTACCAGCTTCTAGTGGCCTAAAAATATATTCATACTGCAAATGTCCTTCATCGAGATTTGAAGCCAAAA  
ACATACTTGCTAATGCGGACTGCAGACTCAAGATATGTGATTTTGGACTTGCTCGTGATCTTTTAGTGATGCA  
CCATCTACTATTTTCTGGACAGTAAGGATTATGCTGCGACTCGATGGTATCGTGCTCCTGAACTATGTGGATCA  
TTTTTCTCGAGAAAATGCTGACAGGGAGACCTTTGTTTCTGGAAAAAATGTGGTTCACCAATTAGATCTAATC  
ACCGATCTGTTTGGCTCTCCGGAACCTGAGGCCATAGCAAAGATTCGTAATGAGAAGGCGAGAAGGTATCTC  
GGAAACATGCGTAAAAAACAACCAAGTTCCATTCTACGAAAAGTTTCTAATGTTGACCCAATGGCACTTTGTT  
ACTGGAACGTCTCCTAGCATTTGATCCCAAATGTCGTCTAACAGCTGCAGAGGCCCTTGCTGATTCTTACTTCA  
ACGGCATGGCGAAACCAGAACTTGAACCTTCTATTCAACCAATTTCAAACTTGAGTTTGAGTTTGAAAGGAG  
GAAGTTATCCAAAGATGATGTTAGAGAGTTGATTTATGCAGAGATTTTAGAGTATCATCCCCAGTTGCGTCAG  
GGTTGTCTACGTGGTGGAGATCATCCAACCTTCATGTATCCAAGTGGGGTCGATCGATTTAAGCTTCAGTT  
TGCACATCCGGAAGAGCACCACGGTAAAGGTGAAAGAAGAAGTCCACTTCAAAGGCAGAACATTTCTTTACCT  
CGGGAGCGGGTTAGTCCCACCGAGCAGAACAACTGAGAATAACATCGATTCCGAAAGAGGGAAAGATAA  
TTGTGCTCATCTCTTGAAAAGTGCAAGTATCAGTGCATCGAGATGTGTTGGAGTAATACCAAAGGAGAAGTCT  
GAGGTGGAAGAACTGAAGTGAAAAATGAAGCAGTGGATGGCTTGCTAAAAAGATTGCTGTCCTTCAAACCT  
TAAAGTTGATATATTTAGCTACTGAAGACAGGAGGCAGAAGTTTTGATCTGACCACATTTTCTTGAAAAACA  
GATGGTTGATTGGACGAATTTCACTTGCCCTCATCTTAATAAATATAGAGCAGACATACCCTCCTCTTGATA  
TAATCTCTTATATTTTGTAAAGCTAACCTGTAGTTTGTGCATACCACACATTTACACAAATAAAGGTATATTT  
GCACCGTAGTATTGTGTGGTAAAAATTTTATAACAAAGCATATGATTATAAGTTGTCTCTGGTTTTGTATCCTTA  
GAGTAACTACTGTTGTTTCAACTCAACAGAGTAAATCGTGTAATAATTATATGTTCAATCCAATTAGAACTACTT  
TTGAT

>trans\_c\_53 AF190655|Nicotiana tabacum poly(A)-binding protein (PABP) mRNA, complete cds

AGATCTGTTGAAGCACTTAATGGAAAGAAGGTTGATGGGAAAGAGTGGTACGTTGGAAAAGCCCAGAAGAA  
ATCTGAAAGAGAAGTTGAACTGAAAAATCGATTTGAACAGAGTGTAAGAAGCCGCTGACAAGTATCAAGG  
GGCAAACCTTATATGTTAAGAATTTAGATGATAGCATCGATGATGACAAACTAAAGGAGTTATTCACTGGTTTT  
GGAACCATTACCTCATGCAAGGTTATGCGTGACCCAATGGAATCAGTAGAGGATCTGGCTTTGTTGCATTCT  
CTTCTCCTGAAGAGGCTGCAAGAGCTCTTGCTGAGATGAATGGAAGAATGATTGTGAGCAAACCTCTTTATGT  
TGCACTTGACAGAGGAAGGAAGATAGAAGAGCTAGGTTGCAAGCACAGTTTTCCCAAATGCAGCCAATGGC  
GATGGCATCTTCAGTTGCTCCTCGTGGCATGCCAATGTATCCTCCAGGTGGTCCAGGTATCGGACAACAAATA

TTCTATGGACAAGCTCCACCTACTATTATTTCTCACAGCCTGGCTTTGGTTATCAACAGCAACTCATGCCTGGA  
ATGAGGCCTGGTGGAGGTCCCATGCCAAATTTCTTTGTGCCGATGGTTCAGCAGGGCCAGCAAGGGCAAAGA  
TCAGGTGGCAGACGTGCTGGTGCCATTAGCAAACCCAGCAGCCTGTTCTTTGATGCAGCAGCAGATGCTAC  
CTAGAGGACGCGTCTACCGTTATCCTCCTGGACGTGGACTGCCTGATCTTCCCATGCCTGGTGTGCTGGAGG  
AATGTTCTCTGTTCCATATGAGATGGGTGGAATGCCACCACGTGATGCTGTTACCCCTCAACCAGTTCCTGTGG  
GTGCTTTGGCTTCTGCTCTTGCAAATGCAACTCCAGACCAGCAGAGAACGATGCTGGGGGAGAACCTTTATCC  
ACTTGTTGAACAGCTAGAACCTGATAATGCGGCCAAGGTAACAGGAATGCTATTGGAAATGGACCAAACCTGA  
GGTCTACATTTGCTTGAGTCGCCCAGCTCTGAAAGCGAAGGTGGCAGAAGCAATGGAGGTTTTAAGAAG  
TGTCGCTCAGCAGACCGGCAATGCAGCTGATCAATTGGCTTCACTATCCTTGACTGACAATCTTGATTCTTAAT  
CTGAATGTTGCAACCCCTTATGTTTTCTTTCATGAGCTGCAAACCTTTTTACTTGGTGCTTTTATATCAACTTTG  
AGATGCGAAGTTCAACTATTTTTGTTGAAAAGAGTGATTTTTATTACTGGCAATGATTGTGGGAACCTATGCT  
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAATAAAACCCCCACCCCGGGGGGGGGCCGGGCCCCCAATTCCCCCAAAGGGGGGAAAAAA  
CCCCCCCCCGGGGGGCTTTTTAAACCCCGGGGGGGGAAAAACCGGGGTTTCCCAAATAAAACCTTT  
GAAAAAACCCCCCTTTTCCACGGGGGAAAAAAAGCCCCCCAATCCCCCTCCCCAAATTTGT  
CCCCCGAAAGGGGAAAGGGGAGCCCCCTGAAGGGCCAAAAAACGGGGGGGGGGGGGGGTTACCC  
CACGGGGACCCCAATTTTTTGCCCCCAATCCCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCCACTTTGG  
CGGGTTTTCTCCCAAAAAATAAAAAAGGGGGCCCCTTTTTTGTTCAAATAATTGGTTTTCGCCCCCCCCC  
CCCAAAAAATTGTTAAGGGG

>trans\_c\_54 FJ796239| Glycine max cultivar Williams allantoate amidohydrolase mRNA, complete  
cds

GGAGCCATAAGCCAAAAAGCTAATTTCCAATTCCACAAAAAGGCTTCCGCCCTCCGCCGCTCTTCTTCTTT  
CTTCCTATCCGTTACCCCAGCCGCTCCCATGGCCATTGCCTATTCCAACCTCCGATTCCCTTACCGCTTTTCTCA  
TCAAGGCCGATCATCAACATCATCACTATCACCACCACCACCACCATTATTATTCTTCTCTCCGTTTTCTT  
CCCCTATCTGCTCTTTTTCTTTTGTTTTCATCTCCTCCACCGCTTACGCATTACCGGAGATGTAGCTGAAGAT  
TCAAAGAACAGAAGGGCTGATTTGTTGCTGCAAATTTCTAAGGACGAGGCAGTAGGGAGATTGAACGAACTA  
GGAAAGGTGAGTGATGCTGATCGATATCTTGAGAGAACGTTCTTGAGTCCAGCTTCTATCAAAGCAAGATTTCT  
TTCTTCAAAAATGGATGGAGGATGCTGGATTAAGAACGTGGGTGACTGCATGGGCAATCTACACGGTCGAA  
CTGAGGGAAGGAATGCAAGTCTGAAGCATTACTGATTGGTTCTCATTTGGATACCGTTGTTGATGCTGGAA  
ATTTGATGGCGCACTTGGCATCATTTGGGCTATCTGCTTTAAAAGTTCTTAATATGAATGGGAAGTTAGAGG  
AACTAAAAAGGCCAATTGAGGTAATTGCTTTCAGCGATGAGGAAAGCGTGAGGTTTCAACCAACATTCTTAGG  
AAGTGCTGCTATTGCTGGTATTTTACCAGTTTCATCTTTGGAAATATCAAATAAAAGTGGCATGACCATAAAAG  
ATGTAATTACGGAGAGTGGAGTACAGATAACAGAGGAGAATTTGTTGCAACTCAAGTATGACCGCAAATCTG  
TTTGGGGATATGTTGAGGTTTATATTGAACAAGGTCCCGTACTCGAGTGGTCTGGTTTTCTCTGGGAGTGGT  
TAGAGGCATAGCTGGGCAGACACGGCTAAAGATTGCAGTTACAGTGAGAGGTTCTAGGGGCATGCCGGA  
ACGGTCCCAATGCCCATGCGCCAAGATCCCATGGCAGCTTCACTGAATTGATTGTACAATTGCAAAAACCTCT  
GTAAGCAACCAAGAGCTACTTATCATTTGATGGGCATTGCACTGATTCTACATTGAAATCACTTTCCACATCC  
CTTGTGTGTACCGTTGGAGAGATATCAACATGGCCAAGTGCAAGCAATGTCATTCCAGGCCAGGTGACCTTCA  
CTGTAGATTTACGTACTATCGATGACATAGGACGAGAAGCTGTAATTTATGAATTCTTAACCAGGTACATAAT  
ATATGCAGCAGCCGGTCGGTTTCATGCAATATCGAACGTAAGCATGATGCAAGTGCCATAATTAGCGATTCCG  
AGCTGAGCTCGCAACTGAAATCTGCTGCTTCACTGCACTCAAAAAGATGGTAGGCGAGATTCAGGAGGAAG  
TACCTGTGTTAATGAGTGGAGCCGGGCACGATGCAATGGCAATATCTCATCTGACAAAGGTTGGAATGTTGTT  
CGTCCGTTGTCGTGGAGGCATAAGTCACTCCCCTGCCGAGCATGTATTGGATGACGACATTTGGGCTGCGGGT

TTGGCGGTCTTGGAATTTCTAGAAAACCATCTGTAATATATGTACCCTTTTGTTCCTTGACGCAAAAATCTAGT  
TAGTAACTTTTGTACAAGTGCTACATGTTAATTCAATAGTACAATCCATCTTCGTAGACTTGCTATTCCTTCACTT  
CAATGTACCAAAAACTAATGAACTTCACGATGCTGTATGTAAATTCGATTTTTACAACCCATCTTCGGTGGGT  
TGTATTCCAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_55 NM\_104208|Arabidopsis thaliana TTL1 (TETRATRICOPETIDE-REPEAT THIOREDOXIN-  
LIKE 1); binding (TTL1) mRNA, complete cds

GCTCATCAGCGTTTGGCATCTCTGTTTCGTAGGTTAGGACAGGTAGAGAATGCTAGGAAACACCTTTGTTTTCC  
CGGTGTTTCAGCCAGATCCAAATGAGTTGCAAAGATTGCAGGTAGTAGAGAGGCATATAAGTAGATGTGGGG  
ATGCCCGTCGAGTTAGAGATTGGAAGGTGATTGAAGGAGGCAGATGCTGCAATTTCTGGTGGTGCAGATT  
CTTCACCTCAGCTGTTTATGAGTAGAGTGGAAGCTCTTTGAAGCTTCATCAGATTGAAGATGCGGAATCCAG  
CCTATTTAGTATTCCAAAGTTACATCCATCGACCAACTCGTGCTTACAACTAGGTTTTTCGGAATGCTTTCAGA  
AGCATACTCTCACTTCATTACGCCCAAATTGAGATGGCATTGGGAAGGTTTGAGAATGCAGTTACGGCTGCT  
GAGAAAGCAGGGCAGATTGATGCTCGGAATGTAGAAGTGGCAGTGCTGCTTAATAATGTGCGCTTGTTGCT  
AGAGCTCGTACTCGGGGCAATGATCTTTTTAAATCAGAAAGGTATACGGAAGCTTGCTCTGCTTATGGGGAAG  
GTCTTAAGCTCGACCTTCGAATTCAGTTCTCTACTGCAATCGGGCAGCTTGTTGGTTTAACTTGGGATGTGG  
GAGCGGTCCATCGAAGATTGCAATCAAGCATTACTTATCCAACCACTTACACGAAAGCCCTCCTTCGAAGGG  
CTGCCTCAAATAGTAAGCTTGAGAAGTGGGAGGAGGCTGTAAGAGATTATGAAGTTTTGAGGAGGGTGCTTC  
CAGATGACAAATGAAGTTGCTGAGTCTCTATTTTCATGCTCAAGTTGCATTAAAGAAATCTAGAGGGGAAGAAGT  
TCATAATCTGAAATTTGGTGGCGAAGTCGAGGAAGTGTGAGCCTCGATCAGTTCAGAGCCGCCATATCGTTT  
CCAGGCGTCACTGTGGTTCATTTCAAAGCAGCATCTGATGTACAATGCAAGCAAATATCGCCATTTGTGGATAT  
TCTTTGTCGTCGCTACCCTTCCATTAATTTCTCAAGGTGAATCTAGAAGAAAGTCCAGCAATTGCAGATACTG  
AAAATGTAAGGATTGTACCAACATTCAAGATTTACAAAAGCGGCAATCGAGTGAAAGAGATCATATCTCCAAC  
TCGTGATATGTTGGAGCATTGGTGAGGTATTATAGCTTATAGAACTAAAATCTACTGATGCTGCCTGTGCTCA  
TTTCCTTTAGCAATTCTCCTCTTCTACCAAACTCTAAATCTCGAATACCTGCCAGAACTCCTTCTACCTCACAA  
GGAATTACCCGATAACTGTGATAATTAGAAGGCTCGAAATAATCCCCACTATCCAACCAAAAAGAAAAAAAA  
AAAAAGAAGGCCAATGGAGTCCAGAGAGAGATAGTATAGTTCATTTTTGGAGTTGTTCTTATTCTATTCTTC  
ATTCCTCATTGCTTTCTGGTTCATCTTTTTCTCTCCCTATCATCTCCTCTTGTTGTTAAATATCCGTTTTCCC  
ACAAGGTTTCCTTACTACAACACCCTTCAACTCAATTAGTCTCTATCACTTCTAGACTTACCAGTCTACTCCCC  
CGTTGTATCGAACTCGTAGAATCATCAAATCCCAATCAAACCTAGCTACATTTTAGACAGAGGGAGAGAGCA  
AGAGAGAAATGGCTGTTGGTAAATGAGGATCTGTACATGTATATATGATATATACAAGAAAAAAAAACCCAAA  
AAAACCAAAAACAAAAGGAGGAGGAAAGGGGTAGATGGATGAATGGATAAAATAGTATGGGGGATTTAGT  
GAAAAAAGGGTGAAAATACATTGTTACCATCATTGTTAGTCTTCTGTTCTTCAAACATTTTCTCAT

>trans\_c\_56 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

TTTGATAGAACTAAACTGTTTATAGATTCTAGAATAATAGAATAAGTTTTTTTATAATAGTTTTCTAAAAAAT  
TATAGATAATATAATCTCGTTNTGTTATTTTTCTTTATTATTAAGGTTATAACAAATCTTTATTTTGTTCCT  
TTTTTATCTATTATTATACTTGATCGACCCTAATTTAGAAATATAATAAAATGGAAAACGTTTCGCGGGCGAAT  
ATTTACTCTTTTATATATGTTTTGGTTCTCGGGTTAGTTAGCCCATAGGTCTACCTCTCATAATAAATGGATTG  
GTCTTGGGTTCTTCCGCCATCCTACCAATGAATTATTAGGATTGTTTTCAATAGAATATTATGTATTCACGG  
GTTCCCTCGTTCCCATCGCTCTCGATTAATGGTTAGGTCTTAATTATACAATGGAGCCCGTAATAAAATTTGTT  
TTTGAGTCAATCTTCTCAGTCTTTATTGTCTCGGGGCTCTTGGCTTTTTTGTCTATGAACAGATTCATCTAATTA  
TGAATTCATCAGTCTTAATGCTTTATTACACTACCTTTTATGAGATGACCCATAGACCTTACATATTACGTATTG  
GAATGATATATCATTCATATTCTTTTTCTCTTTCTTTCACCCTTCCATTTATCCGCATACTTTTATTGCTTGACA

ACTCATAATCGGATTTTTTTTATGCAAACCTCGTTCAGTTGCTACAATGATATGACCAATATAACATATCTTGA  
CTGGTTGGTTTTTTAGATCCAGATAATGCGAAGCGATGAGTTGGTTATTAGTTTTATAATTATTAGTTCAGATT  
ATGTATGGGCTTATCCTTCTTTATTTTTGGTTTTAATCCGAACATAAAAAAACTGACGAGTCGCACACTAAGC  
ATAGCAATTATCTCAAATGATTAATTTTATTTTTATTTAACCTTATAGAATTGCTCATTTTTTATTTAAACGAAAA  
AGACTGATTTGTCATTTCTTGGTCGATCATTGAATAAAACGTAAACACAAGTTGAGTAAGGGCTTATTATTGCT  
CGTCTACAAATATCCAAATTTTATGATGCCTAATACCCCATAGATAGTTCGAACTGGATAGCAACAATAATCAATT  
TTAGCTCGAATGGTTTGTAGAGGAACCCGTCCTTCTCTGATCCATTGACACGTGCAATTTCTTTCCGTCTATA  
CGTCCGGCAATTTGTAAGTTGAAATCCCTTTGTACCCGCTGTTGAGTTAATTCAATAGCTTTTTTTCATTGCTTTGC  
GAAATGAACTCTATTCTTTAATTGTCCGGCTATAAATTCTGCGAGAATATTAGGGTGTCCATAAGGGTTTCCT  
ATTCTTGTAATAGCAATGTTAAGTTTTCGGTTCCAGAAATTAACCTTTTTGTACATTCATCTGTAATTTCTCGA  
TTTTTCGAGACCCACCTTCTATTAATAAATTTGGGAATCCATAAAGATTATCACTTGAATAAGATCAATTTCTT  
TTTGAATCTCGATACGTGCAATTCCTTCAACACCAGAAAATATTCTCATGTTTTTTGTACATAATTCCGGATAC  
AATCTCGTATTTTTTATGATCTTCTGTAAACCTTCAGAATATTTTTTGGGGTGTGCAAACCACAGAGAATGATGCC  
CTTGGGTTGCACCAAGTCTAAAACCGAGTGGATTTATGTTTTGTCCATAATCCCCATTAGTATACATCTCATA  
ACACGTCATATCTGTGTAATTTCTTTAGTTATCAATCCACCAGTTTGTATGGTGTATTGGTATCTTTAAAT  
TCTTCTTATTCACAGATGTATTTTCAATACAATAGTTATAGAACAAGTGGGTCGTTTTATGGGATAACTTCGC  
CCTCTAGCTCGAGGTTTT

>trans\_c\_57 GQ372880|Citrus sinensis cultivar Hamlin citrate synthase mRNA, complete cds

TTTCTGAATCAACATCCATTACAAATCCATCTCTCTGCTCTGACTTTCCTGTACGGTTCATTCCATCTCCCTTCA  
ATTGATTCTATTTCTGCTCTAAAAAATTAGGGAATTTTTGGAGTCATGGCGTTCTTCAAAGTTTGACGGCTC  
TTTCTAAGCTACGGTCGCGTGTGGACAACAATCTAATCTCAGCAACTCCGTTAGATGGCTTCAAATACAGAGC  
TCATCCGATCTTGACCTACAATCTCATTTGAGGGAATTGATTCCAGAGCAGCAGGATCGCCTCAAGAAATTCAA  
AGCTGAACATGGAAAGGTTCAATTGGGCAACATCACTGTTGATATGGTACTCGGTGGAATGAGGGGAATGAC  
AGGACTACTATGGGAAACATCTCTACTTGATCCTGACGAGGGTATTGCTTTAGAGGTCTGTCAATTCCTGAAT  
GTCAAAAATTACTACCAGCTGCCAAGCCTGATGGAGAGCCATTACCCGAGGGTCTTCTGTGGCTTCTTCTCACA  
GGAAAGGTGCCAAGCAAAGAGCAAGTTGATGCATTATCTAGGGAGTTACAAAGCCGTGCCAGTGTTCAGAT  
TATGTATACAAGGCCATTGATGCTCTTCTATTACATCTCACCAATGACTCAGTTTGCAACAGGTGTCATGGG  
TCTTCAGGTTCAAAGTGAATTCAGAAGGCTTATGAGAAAGGAATTCACAAATCAAAGTACTGGGAACCAACG  
TATGAAGATTCAATGAATTTAATTGCTCGAGTGCCTTTGGTAGCTTCTTATGTCTACCGCAGGATATACAAGGA  
TGCCATATAATTCCAAAAGATGACTCTCTGGATTATGGTGCAATTTTTCGCACATGTTAGGATTTGACAGTC  
CCCAATGCAAGAACTCATGAGGCTCTACGTTACTATCCATAGTGATCACGAAGGTGGGAATGTAAGCGCTCA  
CACAGGCCACCTTGTGCTAGTGACCTTCAGATCCTTATCTTTCAATTTGCTGCTGCTCTAAATGGTCTGGCTGG  
ACCATACATGGTTTGGCAAATCAGGAAGTTCTGCTTTGGATCAAATCTGTAGTGAGGAGTGTGGAGAGAA  
CATAACCAAGGATCAGTTGAAAGACTATGTTTGGAAAACACTAAACAGTGGCAAGGTTGTTCCAGGATTTGGT  
CATGGAGTTCTGCGTAAAACAGATCCAAGATACACATGTCAGAGAGAGTTTGCCTTGAAGCATTTGCCTGATG  
ATCCTCTTCTCCAGCTGGTATCCAAGCTCTACGAAGTTGTGCCACCCATCCTAACAGAACTTGGAAGGTTAAA  
AACCCATGGCCGAATGTTGATGCTCACAGTGGAGTGCTGTGCAACTACTTTGGTTTACTGAAACAAGGTACT  
TCACTGTTCTCTTTGGCGTTTCAAGGAGTCTTGGAAATTTGCTCTCAGTTAATATGGGACCGAGCTCTGCGTTG  
CCACTAGAGAGGCCGAAGAGCGTGACGTTGCAATGGCTTGAGGACTACTGCAAGAAAGCTACTTGATTTTGA  
AGTGGCTGACTAAAAGAAAAGTTCATTGAGGCTTCACAAATTTGTTTCAAGAGCGAGAGATTTCTTATCATTTGT  
AATAAAGTATTCAAGCATGTTTACCCACACAGATGCAAAGATCATCTGGAATTTCTTTCCGGTGATTAGTAA  
TTTTTATTCGTTTATGATCTCATCAAGTAGTTGTTGTTAGAAGTGAATGAGAAGGAGGAGATGGTGGGAGCCA  
TTAATAAAAAGGTTTGACCATTAAGAGCTGAGCAGAGCTCAGGCTGCACTTATCCCTGTAAGTTACATACTTCC  
AAGTATACATGCATTTTTTTCAGTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_58 HQ456538|Afgekia filipes acetylcholinesterase (AChE) mRNA, complete cds

AGACCTTCGAACTTCGAACAAGATAATGTGCAAATAGAGAGAGAGAGAGTGTGTGTGTGTGTGGGCAAATGT  
GAAGCTCCGACTCAGTATATGTAATATATAAATGTAAACTTCCTGAACATATTACATATTCTCTAAACCTTCT  
TTCAGAAATCACTTGCAGCGCAAATATGGAGTTTTTCGGCGACGGCACTGTCCGCATTTTTGGTTTTTCATGTTT  
TCGTTGCACTGGCTTCACCGGACTGTAACCTTCCAGTGATTTTCAACTTCGGTGATTTCGAATCCGATACTGGC  
GCCATCTCCGCTGCTTTCGAGCCCATTTCGATGGCCCTATGGTGATGTATTCTTCAACAAGCCATCCGGAAGGGA  
TAGTGATGGTCGTCTGATCATTGATTTTCATCGCCGAGAAGTTGAGATTGCCGTATTTGAGTGCTTATCTGAATT  
CGCTTGGTGCTAATTTCCGGCACGGCGCAATTTTCGCTACCGGGGGGATCGACTGTACGGAAGCCGAATGAAA  
CGATTTATGAATATGGAATTAGTCCGTTTTTTCTTGATATGCAGGTTACACAGTTTGAACAATTCAAAGCTCGCT  
CCAATGATCTCTACAATCAAGCCAAGAACCCATATGACAGAGAGAACTTACAAGACCAGAGGATTACTCCAA  
AGCACTCTACACTTTTGATATTGGGCAGAATGATTTAGCTGTTGGGTTTAGAAAAGCTGAGCATTGATCAACTTC  
GTGCTGCTTTGCCTGACATCGTTAACCAGTTTGCCTCTGCAATTCAAAGAATATACAAGCTAGGAGGGGAGATC  
ATTTTGGATACACAATACAGGGCCATTTGGTTGCCTCCAGTCAACCAATTTTACAATCTGAACCCTCCCCCTG  
GCATCCTTGATGAGCATGGTTGTATCAAGGCTCAAATGATATTTCAATGGAGTTAAATAATCAGCTCAAAGC  
AAAATTGGACAAGCTTAGGGCAGAGCTCCCGGATGCTGCCATTACCTATGTGGATGTCTATGCTGCCAAGTAT  
GCTCTAATCAGCAACGGCAAACCTCAAGGGTTTTCCGGAACCACTCAAAGTATGTTGTGGGTACCATGTGAGGT  
ATGACCATGTGTGGTGTGGGACAAAAGCACCCATAAATGGAAGGTTGGTGTGTTGGAGATGCATGTGAAAACA  
GAGCTCAATATGTGAGTTGGGATGGAGTCCATTACTCTGAGGCTGCTAATCACTTTGTTGCAAATCACATTCTC  
AATGGGGCATTATCAAGCCCTCCTATTCCAATCACACAAGCATGCCATAGAAATTAATAATTAATTGATGGGT  
AATATTGAAGTTCTACTACTATATTGAGCATGTATTTTTGTATTTGTAGTAATAATAAAAACTTGGAATTCT  
GAGTTCTTGGTTTTTCTTTTGAAGTGTTGCTTTAGAAGTGAAATACTTCATTTATTAATAATAAATTGCT  
TATATATGCCTTGTGTATCTTAAAGCAGTATTACAGGAAATGGTAAAACCTTTGTATATTAATAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTACAAACCCCCCAACCCGGGGGGGGGGCCCCGGGCC  
CCAATCCCCCAAAAGGGGGGCAAAAAACCCCCCCCCCGGGCCCGCTTTTAAACCCGGGGGCGGGAAAA  
AACCGGGGGTTCCCAATTAAATCCCTTGGAACAACCCCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAG  
CCCCCCCCAACCCCTTCCCAAATTTGCACCCCAAAGGGGGAAGGGGACACCC

>trans\_c\_59 AF432225|Medicago sativa GSK-3-like protein MsK4 mRNA, complete cds

ACTGTACTTCACGCTAACTGAGAAAAATCCAACCTCCACTCCCCACCATGGCCACTCCATAAATTTACAAACC  
ATACCCATCGCCATACAAAATTCTCCACCAATTTCTCTCATTGGACTCTTATGATGAACCACCATTACTTTCTCT  
CTCCGCCGAAATCTACCAGAAACCTTGGTGCTCGGGTCGTGTGGAGTGTAGGAGTACTAAGACGCGTGATG  
GTAATTAATATTGGTACTCCTAATGAACAGAGATAATAAAATGGCGTCTGCAAGCCTAGGAAATGGGGGAGT  
TGGTAGTTCTAGGTCTATCAATGGCTTCAAGGGTTCATCTAGTTCACTGGACTGGCTTGGGAGAGAGATGCTT  
GAGATGAGACTAAGGGATAAGACAGACACTGATGAGGACAGAGATAGTGAGCCAGACATAATTGACGGAGT  
GGGTGCTGAAGCAGGGCATGTGATAAGAACCACAATCGGTGGTCGAAATGGTCAATCTAAGCAGAATATCAG  
TTATATCGCAGAACATGTAGTTGGAACCGGTTCTTTGGTGTTGTTTTCAAGCAAATGTAGAGAACTGGA  
GAAATTGTTGCAATCAAGAAGGTCTTCAAGACAAGCGATACAAGAATAGGGAGCTACAGATTATGCAAATG  
TTGGATCACCAAAATATTGTTTCCCTAAAGCATTGTTTCTTTTCAACAACAGACAAAGAGGAGGTCTATTTGAA  
CCTAGTGCTTGAATTTGTTCTGAACTGTCAACCGTATTGCAAGGAACTACAGCAGGATTAGTCAGCGGATG  
CCCTTAATCTATGTTAACTTTATACCTATCAGATATGTAGGGCACTTGCTTACATACATAATTGCATTGGTATC  
TGTCATCGGGATATCAAACCTCAGAACTTACTTGTGAATCCACATACACATCAGCTCAAACCTTTGTGACTTTGG  
GAGTGCTAAAGTCCTGGTGAAAGGTGAGCCTAATGTTTCATACATTTGCTCAAGATACTACCGTGCCCCAGAA  
CTCATATTTGGTGCCACTGAGTACACTACTGCAATTGATATATGGTCGACTGGATGTGTGATGGCTGAGCTACT

>trans\_c\_60 HM122579|Malus x domestica HD domain class transcription factor (HD21) mRNA, complete cds

>trans\_c\_61 AB204522|Malus sylvestris ACL5 mRNA for ACAULIS5 protein, complete cds

CCCCCTCAAACCTTACAACCTCTCTGTTTCGTCACTAATTACGTTCCCATTTCTCTCCTTCTTCCTCCTTAAC  
CGATGGGTCCTGCAGTTCTAAGCTCACACACCAATGGCTTCTCTCAATCAGTCGATCGAAACTTCGAAGAGAA

AACCAATTACATCAATGACGATAATTCTTCTCACGAATCGGTAATCAACAATGTTAATGGCGACGATTGCCATT  
 GGTACGAAGAAATCATCGACGAAAACCTCAAATGGTCCTTCGCTCTTAATCGTGTTCTGCAGCAAGGAACCAAG  
 TGAGTTTCAGGATATCGCTCTTTTAGATACGAAGCGTTTCGGAAAAGCATTGATGATCGATGGGAAGATGCAA  
 AGTGCTGAGGCCGACGAGTTTGTATCATGATGCTTAATTCATCCCCCTCTGTTATGCCATTCCAACCCAAAA  
 AGTGCTTCATAATGGGAGGTGGAGAAGGCTCAGCAGCAAGAGAAGTTCTTAAACACAAATCAATAGAGAAG  
 GTTGTTATGTGCGATATTGATCAGGATGTGGTGGATTTTTGTCGTAACATTTGACGGTGAACCGAGAGGCCT  
 TTTGTCACAAGAACTTCATCTCGTAATAAACGATGCAAGGGTGGAAATTGGAGAAGAGAAAGGAGAAATATG  
 ATGTAATAATAGGAGACCTAGCAGATCCTGTTAAAGACGGGCCTTGCTACAACTCTACACCAAATCCTTTTAT  
 CATGACATCCTCAAACCTAACTTCACCACAATGGCATTTTTTGTAACCTCAGGCAGGACCAGCCGGAATTTTAC  
 CCACAAAGAGGTTTTTACCTCAATTTATAACACAATCAAACAGACCTTCAACTATGTGATTGCTTACACGGCTT  
 ACATACCATCTTCTGCAGACACATGGGGATGGGTATGGCATCAGATCATCCTTTCTGTATAAAATCTGAGGA  
 ATTGGATAAGAGAATTGAGGATAGAATCAATGGGGAGTTGCTCTATTTAACTGGCCCTCAATTGTGTCTTCC  
 ACCATTATCAACAAGATTGTCTCTTTAGCGTTGTTGAATGAACTCACATCTACACTGAAGCGACAGCAAAGTT  
 CATACATGGTCAAGGGGTTGTTGGATGCAACAATTGAACGGGGGAGTTGTGGTCGTGGTGTGTAAATATA  
 CCATAATATTAAGGACCTAAAATATATCACACTTTAATTAAGACACCATTAAATATAAAAAAACCTAATCAAG  
 ATTATTACTTTTCACTTATTTGGTATAAGAAAAAGAAAAAGGAGAAAATTTAGTTTGTATTATTGATTACCTTTT  
 TAATATATAAATTAGAGTTAGATGACAAAATAAGCATAGCGTAATGATATAGCTGGAATGTACTAATACCGGA  
 ATCGAGTTGGTGAATTCATTTCTTAAAAAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG  
 AAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCAAA  
 AATTTTATCAATCCCCCAACCCAGGGGGGGCCCCGGACCCCATTTCCCCTAAAGGGAGTCAAATTACCCCC  
 CCCCCGGGCCGCTTTTTAAACCCCGGGACGGGAAAAACCCGGGCTTTCCCAATTTAACCCTTTGAACAA  
 AACCCCTTTTCCCAAGTGGGAAAAACCAAAAGCCCCCCCCCAATCCCCTTTCCAAAATTTCCCCACCCTA  
 AAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGTACCGCCATTAAACCGCGGGGGGGGTGGGGTTTACCCCAACGGGGA  
 CCTCAACTTTGGCCAGCGCCAACCCCCGGCCCTTTCTTTTTTTCTTTCT

>trans\_c\_62 NM\_115831|Arabidopsis thaliana IQD13 (IQ-domain 13); calmodulin binding  
 (IQD13) mRNA, complete cds

AGGAGAGGTTTCATGAGAATAACAGCAGAAATGAAAGGAAAGGAGATGGGAAAGGAGAGTCCACTTCTTTCA  
 TTCCTATCTTTAGGAAGCCGAGCAGTGTGAGAGAAATCTTTAGTGATTTTGAGAGGGAGCAGCAAATAGTAGC  
 TTTCCGGCCTCCGGCTCCTGAACGGCCATCTACACCACCTATACACCTTCTCAACCAAGTCCCACTCGTGCTCC  
 TTCTCCTCCTAGAGCTGCTCCTGCCAAAGAACCATCTCAAAGATTCCCCTCCTACAAGTCTCCTGCCAAAGA  
 ACCATCTCCCAAGGTTCTCCTCCTAGAGTTGCTTCTCCTCCTCGAGCTTGCTCATCATCAACAGTTGTGATCA  
 TCACAAGGAAGTCAAGAACATTCCAACCATGTCGATCCTCAAGAGGAAGTACCCCCATTCCAACGGCTGTG  
 AATCATCGCGAGGAAGTCAGCTACATTCCAAAACCAACCGTGACGAACCATCATTCTTCTGCTACTAAGATCCA  
 AGCAACCTACAGAGGTTATGTGGCGAGGAAAAGCTTCAAAGCATTGAAGGGTCAGGTGCGGCTTCTAGGTGT  
 TATACGAGGGAATAACGTGAGACGCCAGACATTGAATGCTAAGAAACAGATGCAACTTTTGGTTTCGAGTGCA  
 ATCAGCTATACAATCACGACGAATTGAAATGCTGGAAAACCAAGAGGCAACTCCAGGATCATCCCAATGATAAA  
 GAAGCTCACAGTACCTTTGATGCATCCGAGGGAGGTAACCATGAAGACTGGGATGAAAGCTCAATAACAAAG  
 GAGGAAAAAGATGCCCGATTGCAGAGGAAGGTAGAAGCAGCCATTAAACGAGAACGTGCAAGGGCATATGC  
 ATACTCCCAATCCCACCAGAGAACCACTCCAAGATTGGGACAAGATTCTCAAATGGATACTTGCGCCATGGGA  
 GTTCCAAGGTGGTTGAAATGGTTAGAAGGTCAGTTACCTACTGAAGGTTCTCAAAGCATCCTCTACCAAGAC  
 CTTTAACTCCCCAGCCGGAGCAGAAGTCAAGCCACGGTCTCCTTCAAGCAACATTAGACGACAGAATTCGG  
 CTTAGATGTTAGGGATACTCCACACCAAAGTCCACAAAATCAACAGCATTCTCAAATGCAAAGCCTGCTCGG  
 TCACCACTCCGATTGAGAACCCCTCAAACAGCAAGGTCAACCATCTCAACGATTGAGATCACGAGGCAGCC  
 GAGCATTGTCTCCTTTGACATGAGGTTAAAGGATGATGACAGCCTGTAGCTGCCCTCCATATATGGCACCA

CACTATATGACTCCTACAATTTCTGGCCAAAGCAAAAGTTCGAGCACGTAGTAACCCAAGGGAGAGATTTCCAG  
GTACGCCAAGGAGCGACGCATCTAGCAGAAGACAATCATTTCTCCAACGCAAAGTGTTGGATCGTATAGAA  
ACAGAGGTTTGATGTCGTCACCGAAAGATCATGCAACATTAGATGACAACCAATCTTTGCGATCGGTGGGAA  
CTTCAGCTTTGCTTCACTACCAACTGGAGTTAGAAGGAAACCATTTAACAGATTTGTGTGATTTAGTTAACCCA  
TCTTCTTGTTCTGTGTTTCTAATGATAAAATTTGAGTGTATTTAATGTTATATGGTTTTGTGTTGCAAAAAATA  
CTGATTTGTAATAAGAAACTCAAGGTTTGAATTGGGTTTGGGTTTGTGGCTTTGGGTTTGGGCTTTCTAATG  
TTATACTTGACTACTTCACTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCTATTCTTATGGATAATTGAATGTTATTTCTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_63 NM\_121906|Arabidopsis thaliana MPK16; MAP kinase (MPK16) mRNA, complete  
cds

TCTTCCACCGGGACCTAAAACCAAAAAACATCTTAGCAAATGCCGACTGCAAACCTCAAGATCTGTGACTTTG  
GTCTAGCACGAGTTGCTTTTAATGATACTCCTACTGCTATTTTCTGGACTGACTATGTAGCAACAAGGTGGTAC  
AGAGCTCCTGAACTCTGTGGTTCATTTTTCTCAAAGTATACACCAGCAATTGATATATGGAGCATTGGCTGCAT  
CTTCGCGGAGCTTTAACTGGAAAACCACTTTTCCCTGGAAAGAATGTTGTCCACCAATTAGATTTGATGACAG  
ACTTTTTGGGAACCCCAAATGCCGAAGCCATTGCCAGGGTACGAAATGAGAAAGCTCGAAGATACTTGAGCA  
GTATGCGAAAGAAGAAGCCTGTTCTTTCTCCAGAAGTTCCTCATGCAGATCCACTTGCGCTTCGCTTGTTG  
GAAAGAATGTTGGCTTTTGTAGCCAAAGGATCGACCTACAGCAAAGGAGGCCCTTGAGATCCATATTTTAAAG  
GCTTAGCGAGGGTTGAGAGAGAGCCATCTGCTCAACCTGTTACTAAGATGGAATTTGAATTTGAGAGACGAA  
GGATAACCAAGGAAGATGTCAGGGAGCTTATTTACCGTGAAATTCTCGAGTACCATCCAAAAATGTTGAAGG  
AATACTTAGATGGATCAGAACCTACTGTTTTCATGTATCCAAGTGCGGTTGACCATTTTAAAGCAATTTGCG  
TTCCTTGAGGAACACTATGGAAATGGTGCAACTGTAGCCCCTCCTGAAAGACAACATGCATCCTTGCTAGGC  
CATGTGTTTTATACTCAGATAACATGGTGCAGAACTCGGCCCAAGTTGCGAATGACCTATCCAAATGTTCCATC  
AAAGAAGTTGAGAGGCCACAAGTGGATAGGAATTGCAATATTCCTTTGGCTAGAGTTCCTATTCAAGTTCCTC  
AATCTATTCAAGCAGGCAATGGTGCAAGGCCTGGAAAAGTTGTTGGCTCTGTGTTACGATACAACCTGTGGAGC  
AACAGCTGCGGCAGTGGCACCTGAAGTTCTTGAACAGCGGAGAATGACCAGAAACCCTTCCATTCTCCACAG  
TATGCCGGTAATAACTGTTTCGTATCCAAGGAGAAACTCATCCTGTAAAAATGAAAGAAGTATGAAGAAGCCA  
TTGAAGGTCCAAATGGGTTGCAGCCTAAACCTCAGTACATAGCTAGAAAAGTTGCTGCTGCCCAAGGTGGACC  
AGGAAATAACTGGTACTGAATCTATAATCCACTATTCCTTCTGCTGCCTGCGGTTGTTTCAGTGAAGACGTAAC  
CAAGATGCGGGCTTCTACTGAATCTTCTCGTGGACCACCTCCCACGAGTCTGATTGAAACCAACAGCAGCACC  
ATTACACGGGGCGATGAAGTTTAAGACATGATTCAATTGAAAGGCAAAGCAAACCTGTACTACTCTATGTTGCT  
GACAAAGTTGGATTGCTATCTTAGCATTCTTTACATGATAACGTCGTGTTAATGTTGCTGCTCAGCTGTTGA  
AGCATTGGGACTTGCTGCGGCTTACCTGGTACTTGAAATTAGGACCATAATGCTGATTATTATGTTTTCTTTAT  
ACGTTCTCTTTTACTTCGCAGGTATAAGTTATAATAGTTGACTAATCCAATCTACTAAGATTGCTATTTGACAAT  
ATTTGGGACTTGGAATCAACCTTAGCTTATTCTCTCTATGTATGAAATTTGTAATTCATAACTTAAATTTGTA  
CTTTTCACATCTCCTTCACTGTATCATTCTGATAAGCTCCTAAATCATTACGTTTCCAGCTAAACTAAAGGGATT  
TTGCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_64 NM\_001186902|Oryza sativa Japonica Group Os04g0278200 (Os04g0278200)  
mRNA, partial cds

AAGATATAAGAGTTGGTTCTGCCCTTACAACCTTGGCCAGTTTTATCTAGTTCAGAGGAAGCTAAAAGAATCC  
TGCAACTGCTATGAGCGGGCACTTAAGATCAAAGGTCGCGTTCTTGGATTGGCCATGTAGATTATGCAGATA  
CAATGTACCATCTTGGAACAGTGCTATACCTTCTTGAGAGGAAAAAGATTCTGAGGCCCTGATACAGGATTC  
TATTAGGATACTGGAGGAAGGTGGTTTAGGTGAGTCAATTCTCTGCATCAGAAGGTTGCGATATCTTGCTAAG



ATGCACATGAAGTCGAATAATCTTTTGGAGGCTGAGAATGTACAAAGAAAAATTTTGCACATTATGGAATTAT  
CAAAGGGATGGAATTCTCTGGAACTATAAATTCTGCTGACGGCTTGGCCTCAACACTATATGCCAATGGTTG  
CTTGAAGGAAGCACAAGAGCTTCTTGAGAGGTGTCTTGATGCACGGAAAAAGTTTACTTCTGAGGACCACATC  
CAGGATATCACGAGGAATATTATATACAATAAGCAAGCGCGGTGAGAAGAAAGAAATTCATAAAGATGGAG  
GATCTGGAAAGGACGGACGTACATCACTTATCATACTGGTTTGGTTTCTTTCTCTACAATGATGAAATGAAGT  
TTCTTCAAATATCATGTTTTCCCATTTTTCCGAAGATATTATAATTTTGTCTATATCATCATTCTAAAGGCTAGG  
TTTCCACATGTTAACTTTTTGTCTCAAATATATCCGTAAGTGAATGCTCTTTCTAATTGTATTACTCCGTTGTC  
ATTCACTCCATTATGAATTTTTAAGCTTTTTGTTGTTATTACTAATTAGGCCTTATCTTACTTGATTGAAGGCAC  
TTTTGTGAGTTTCTTTTTGTTTGTATTATATTCTTTCATTCTTTCTTATTAAGTTGAATTATTCATTATGTAA  
AAAAAAATCTTTTACCAAGAATATTATATTAAGACGTGGAAAAGTATACCATGTATGTTAAATATGTGTTGAT  
CTTCTTTTTTAATCGATAGTGCATCGCTGTGTTTGTGATTGCCATGTTTTGATATGATTTGTATCTAGGTCGTTG  
CCCTGTGATTATGTCCCTTAGTGATTAAGACTCATAAAATTTAAATGATTTTAGTTGATCGTTTGGGTAGAAAT  
CTACTCGTGCTATTGGCTCCATCTGTATTGTGTTTGCAGTTACAATCACTTGATTCTCTCGGGAATTTGGAGATT  
ACGGTGCAAGAGATGCAAGTATCAAAGAAGGATCCTTTGCTCATTGAGGCTGAGAATTTACTAACTCAATGTT  
TTTCTACTTATCAAAGTTCAAAGGTTCACTTTGACACTCTTGAAGTCAAGGCTGAGTACTGCACATGTTTG  
AAGCGTCTCTCAAGCCTGATTAGCTCTGGCAGAACAAAGTAAGCAAACAGGAAGGGTCAGTTTGAAGATCTG  
AAGGGTGAAATCAGTCGCCTTGAGGTCGAATTGTCTCCATACAGAAAACAAAAAAGCTAACATCTTCAGGTCT  
GGAATCATTATTATGGTTTCCCTTATTTAGAGCAGCAACATGGAGAAGTTTCTTTACTAACTTACCCAGTTGTCT  
ATTTCTTTATTATTTATGTTGCTACATTTTTTTTTACCTTTCCTTATTCTACATATTGGCCTAGGCCTTCACTGAT  
GTTGTAGTTGTAGTTCCAACAAGCGCTGCTACGACCTTATGTGAACAGGATCTATATACAATATACATTCATCC  
ATCAACAAAAGTACATCCACTGCAAAGATAATTTTTCTTATTTACAATTAGTAGTTTTACCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_65 NM\_111615|Arabidopsis thaliana PUB9 (PLANT U-BOX 9); ubiquitin-protein ligase  
(PUB9) mRNA, complete cds

CTTCTCCTTTCTCTCTCTCCCTCTCTCTCTGCTTTAATGGCGGATTGAGCTTCTTCACTATTACACGTATAG  
AAGGGCAAGAACGAGAAGCACAAGAAGAACCCAAGAAGCTTAAGCCTTTCAAATCAAACATGCCAACTTCC  
ATTTTCAATCATCTTCTCCCTTCTAGCCGACCCCCCACTCTTTTTCTCTCTTCTTCTCCTCCACTATTCCAACAC  
TTCTTCCATGGCCAAAACAGGTGTCTTTGATTCTGATCCTACTGTTATCGGCAAAGCCACTGAGTTGAAGAAAG  
AGTTACAAACACTCATTCTTGCTATCATTGATGACGACAATTAATCCACCGACACCATCGATAACGCTAAAGAC  
ATCCTTTCTGCTCTCAAGGAAGTGAAGTCAAGGAGATCCCGTTCTTCTTCTAATCTTTCCACAATCTCATT  
CTCCCCAAGAATTTGTTGCTCTTTCTAGAGAACTCATGAGAGATCCTGTCTCTCTCACTGGCGAGACAT  
ATGACAGACCCTTCAATCAGAAATGGTTAAATTCAGGGAACAGGACTTGCCCTAGAACTCAACAAGTTCTTTC  
GCACACCGATCTCACTCCCAATCACTTGATTGCTGAAATGATCTCTCAGTGGTGTGCAACTCGGGGAATTGAGT  
TGCAAGATCGTGTCCGTGTTTATTATCTTGACGACGATGTCATAACAGAGGCTGATCGAGACCGTTTTCTCATG  
TTACTTGAGAAAATGTCTATGACAATATCTGAACAGAAAGAAAGCTGCAAAGGAGCTACGAATGTTGACGAAG  
CGAATGCCTTCATTTGAGCACTTTTTGGTGAGTCCCTTGATGCCATATCTTGTGCTTAGTCCACTTAGTGGA  
GATAAGTCACAAAGTAATAGTAATATTACACGGATCTGCAAGAAGATGTGATCACAACCCTCTTGAATTTGT  
CGATCCATGACAACAACAAGAAGCTTGTGCTGAAACACCTTATGCAATACCTCTTCTAATGGAAGCGTTAAG  
ATCAGGAACCATGGAACAAGGAGCAATGCAGCTGCAGCCCTATTTACTCTATCTGCTCTCGACCCAAACAAA  
GCAATCATTGGGAAAGCTGGTGCCTTGAAACCACTTATCGAGCTTTTGGACTTGGGGCATCCATTATCAATCA  
AAGACGCTGCTTCAGCAATATTCAATCTTTGTATACTTCATGAAAACAAAGCAAGAGCCGTGCGTGATGGTGC  
AGTTGAGTGCTTCTGAAAAAGATCATGAGCCAGATGCATGTTGATGAGTTGTTGGCTATTCTTGAATGCTA  
TCATGCCATCAAAGAGCTATTGAAGAAATTGGAGAACTAGGAGCTGTCCCGTTCTTACTCAGAATTATCAGGG  
AAAGTTCTTGTTACGTAATAAGGAAAATTGCATTGTGATCATCCATTCTGTCTGCTTATACGATCGAACCAAA

TGGAAGGAAATGAGGGAAGAAGAGAAATGCTATCGAACCATCTCTGAACTTGCTCAGAATGGGACTTCAAGG  
GCAAAGAGAAAAGCCAGTGGCGTACTTGAAAGAATAAACAGGGTAGTTAATATGACCCATACCGCCTAATGA  
AATTCCTCGGCATTAATAAATTGTAGATTCTGCATCTAAATCCAGCACTCTCCGTCTTTGCTAAGACTCGGTCTG  
CTGTTTGGATAATCTTCAATCATCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATATTCTTATCCTGTGGAGTCTAATGT  
TAGATTTCACTGCCAGGTTTCATCAGTTTAGTCACTGTGAATAAATGTGAAGTGAGTTCTATTGATAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_66 DQ997697|Populus trichocarpa CBL-interacting protein kinase 7 (CIPK7) mRNA,  
complete cds

AACCCAAACAACAATCGGAGAGAGACAGAGACAAACAAGAAAGAAACAATCAGAAAATCATCCCCAATTCGA  
AAAATTTAGGGTTTCAGAACTCTGCAGGGAATGCGGAAAGATGAAATTTGCTTCGTTGATTAGTTTGAAGTTG  
ATCGGAAGATCCAAAACCTTCATCATCGGCGGCAGAAATTGCCACCGGAAACACGTGGAAGACGGGTGATCT  
ATCTCCTCTCTTTCTCCTCCCATTTACCTTCTTTAACTTCATTTCAATTCAACTCACTCTGTATACAAAATC  
ACCTAATCTCGATTCAATCGAGTTCAAATCCGATGGCGGATAAAGGCAGAGACGGCGGTTACTCAAGTTTACT  
CGATGGGAAGTACGAATTAGGCCGTCTTCTAGGGCATGGTACCTTCGCTAAGGTTTATCATGCTCGGAATCTG  
AGGACGGGGAAGAGTGTGCGCATGAAAGTGGTTGGGAAGGAGAAGATAATCAAAGTCGGCATGACGGAGC  
AGATCAAGAGAGAAATCTCTGTGATGAAAATGGTGAAGCATCCGAATATTGTGGAGCTTCATGAGGTAATGG  
CGAGTAAATCGAAGATCTATTTGCTATGGAGTTTGTTAGAGGCGGCGAACTGTTCTCCAAAATTGCGAAAGG  
TCGGCTACGAGAGGATGTAGCTAGGGTTTACTTTCAACAATTAATCTCTGCAATCGATTCTGTATAGCCGTG  
GAGTTTACCACCGTGATCTGAAACCGGAAAATCTCCTTCTCGATGAAGACGGTAACCTTAAGGTAACCGATTT  
CGGCCTCACCGCTTTCTCAGAACAATTGAAGCAAGACGGATTGTTGCATACACGTGCGGAACTCCGGCGTAC  
GTCGCACCAGAGGTCATCGGAAAGCAAGGATACGACGGCGCTAAGGCCGACCTGTGGTCATGTGGAGTCATC  
CTTTACGTTCTTCTCGCCGGATACCTTCCATTCCAAGACGACAACATGGTGGCCATGTACAGGAAGATTTACAG  
AGGCGACTTCAAATGTCCGCCGTGGTTCTCCCTGAAGCCCGTCGGCTCATCACGAAGCTGCTAGATCCAAAT  
CCCGTGACCAGAGCCGGTATCACGAAGATTACATCCTCGTCTTGTTCAAGAAATCGGTACCGAAAAGTCTGA  
TTAGGAAGGATGAACAAGAACAAACAGAGGAGAATTTACAAAATCAAAGCCACCGGCGGAAACATTAAAC  
GCGTTCCACATAATATCTCTATCGGAAGGGTTTGATCTGTGCCACTGTTTGAAGAGAAGAAAAGGGGAAGAG  
AAAGAGGAGATGAGATTCGCAACATCGTCGACGGCGAGCAGTGTGATATCGAAGCTCGAGGAAGTGGCGAA  
GGCGGTGAAGTTCGATGTGAAGAAGAGCGAAACACGGGTTCGATTGCAGGGGCAGGAGATGGGGAGAAAA  
GGGAAACTGACGATTGCGGCGGATATCTTTCGATGACGCCGTGTTTGTGGTGGTGGAGGTGAAGAAGGA  
TAACGGAGATACATTGGAGTATAATCAGTTCTGCAGGAAGGAGCTCCGGCCGGCATTGAAGGACATTGTTTG  
GACTTCTCCGACGGGGAATTCCACACCAGCTTGAAGAAGAAGATGGATCAGATTATGTTGAGATTGGAAGTA  
GGAGTAAGATTTGAGTAGTTTTTGTATGTTATGTCAAATTGATAAATTGAAATGAGGATAATGATGATGTC  
ATGTAGTTTGTTAATTTTTAGTTTCATGATTTGCGATAAATCATAAATGGATGGGCCCTTAGCCAATTTGTTCA  
ATTTGTGTTGTGGGCATCTGTGTTGTTAATTTCTTTTAAATTGAGATATAA

>trans\_c\_67 NM\_120596|Arabidopsis thaliana transcription elongation factor-related  
(AT5G05140) mRNA, complete cds

AGTTGTTCTCTTGCCGATTGACTCGTTGTTGGGCTGTGACCGAGTGGAGCTGGCGGTGGCCGGAGACATCG  
ACGGCGATGACGGTGAAACGGGTTTCAAGAGCGATTTCCCGGAGATGGGTGTGAGTTTGAGGCTGGTGGG  
AGCAAAGAGAGCAAGGTTTATAGTAGTAGAGATGATATAGGGGAGATGAATTGCAACCGGGTTAGTAATTTT  
AGCTTTGGTGAAGCTGAAGCATTGACTGATGAAATTGAGCAAGAATCTCAGATTGTAGGAGAGGTTTTGAGG  
ATCAAAGAGATTCTTAATAATTTTGAAGATGAGTCTGATTGGTGTTTTGAATCACTTAGAAGACTTGAATTGA  
TGGCTCTATCAGTTGATACTTTCAGGCAACTGAGATTGGCAAAGCTGTTAATTGTCTTCGAAAGCATGGATC

AAAGCGCATCCGCCATCTTGCTCGAGTTCTTATCATGGAGTGGAAAGACATGGTGGACGTGTGGGTACAAGC  
TACAGCTGCTGTTCAAGGTGCAGAGGTCACACCGGATTCCAAAAGCAAGTCTGCTGCGGTAAAAGAAGAAGA  
TGATTATGAAGAAGAAGGCCTTCCCTCGCCTCCTTTAGATGAAGCTGCATTTTTTACCACTCAGCCCACATCTAT  
GGAGCTCTCACAATTCTTTGATGGCATGGACGATGATGGAAATCCTCGAAATAGTGGGGACTTCGTCAAGAAC  
CGCAATAATGTGAGAAAACTTCAAATGGCAATCAAAACCCTACAAGGTGTAACCAACAAACCACTCGAGAG  
GTTAATGTGCTTTCTAAGGAAAATAAGACTCAAATGAAGGAACAAGTTGTGAAGCCAAATAATAAGCCATCCT  
CAAACACAAATTCTGGGCTTTTGAGGCAACAGAAGCTAAGCACAGAACAGAAGGACAACCATGAGAAGTTCC  
AGCGCAAATTGGAAAAACCTACAATCCCAAAGAGGAATCAGCAAGATAACTTCAAGTGCTCGGATGAGGTTG  
CAGTTCAAGTGAAGCTAGAAGCTACAAAAAGGAACTCCAAGAGAGTTACCAACAAGCTGAAAACGCCAAGA  
AGCAGCGCACAATACAGGTTATGGAATTACACGATCTTCCCAAGCAAGGAATTGGCCATAGAAATCCACACCT  
AAAATCTGGAGGCTTCAACCGGCATTGGACAAATGGGCTGGCGTTAGGATCGTCAATGTAATAAGGTAGAAG  
ACTAATGCTTCCAGCATTACTGTTGAGTGACTTCCATCTACAATCAGGTGGAAGATCATGATGCTAAAGTCTC  
CTGGCAAACAGAGTCTTGACCGACTTCGCTTGAAGGTAAACAACAAAAAACTTGGTTTCAGTCTGTCGTGCCA  
GAGAAGGCGATTCCGATCTCGAGGAGAGTTGGAATAAAAAAAAAAAAAAGGCCATTTCTACTTTAAGTA  
CATTTTCAAGTATAGAGAATTTCTAATTGGAATTTGGGAGGCAAAATTATATAGCATTATCAGTGGTTGTTCTG  
GGAGTTTTGACTTGATTATCTTTACATAATGACTGTATAGAACCCTCATTTGATATCCTCTTCACTTACTTCAC  
TGACTACTTCTCTTATAGACATTTTCTTCTTTCTTACATGGAAGACTTATCCTTCCATACTGTGAAATTAA  
TGATAATGTAAGATAAATTGCACAAAAACCAAGGTGCATTCCCATAAACAGTATAAAGTCATCTCTGTATACTT  
CTTCTTCTCATATGAATGCGAATAATTGTTCTCACAATTTTGTAGCTTTTGTCTCAAGGAATGATGGCCAATGA  
TTCATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_68 EU786799|Glycine max RING finger protein (RFP1) mRNA, complete cds

TTACTCTTACGGGGTTCTCCCATTTCTCTCCAATTTAGACATAAGAGAGAAAAAGGGTCCAACCCTCTAAAAAC  
CCTCCTTCTCTCTTCTCAAACACCTCTGTTTTAGGGTTTCTTTCTTGTTCCTCAACTCCATCCTTCTCTTTCC  
AAATCCTTTCTTTTGGGTGTGAAACAAGGGCTTCAAATTTTAAATTTACATTAGCGGTGAGGCAGTTTGGTGA  
GTTTTCAATATTTTATTATATATTCTTTCTCCTTCTCATTATTTTCTAGCATTCCCTTTGGCTTTTACTTGGAGAT  
ATTGTCATTTTATTATCGATTAAAGAGGTCGGTTCTGTTGTTTGTGACACTTCTGGTTGTTGCTGCTTATACTTT  
TGCAATCTGGGGTCAAGAGTTTTGGGGGTTTGTGTTTGTGATTGTTGGAGTTACACTGATTTTGAATTT  
TGAAGGGTATGGTTTAAAGTTTTAGTTATTTGATCTGTGGAATGTCAAAGTGGTTTTTGGAGAAATCCCATT  
GAAAAATGGCTCGGATTCGACATCAAATCTTCAAATGATGGGTTTTTGTAGCTACCTCCTCTTGTAGCGGT  
TCTTCTTCAACCCCTTTGATGGAATTTACAATAAGGAACCAACCCACCTGCAGTTCATCTCCATCCTCGTCT  
GGTACGAGGATAAGTCCAGCAGTTCTTTTATCATAGTTATTTGGCTGTTTTGTTTTTCACTTCTGGTCTGCTTC  
ATCTTCTTGTTAGATTCTTATAAAACACCCATCTTCTCAGCTTCTTCTCAATCTAATAGAAACCCAGAACTTTC  
ACCTTCTGATGCACTTCAGAGACAGCTGCAGCAGCTCTTTCATCTTCATGATTCTGGTTTAGATCAAGCTTTTAT  
AGATGCACTTCTGTGTTTCAGTATAAAGAAATTGTGGGTCTCAAGGAGCCATTTGATTGTGCTGTTTGTGTTGT  
GTGAGTTTTCTGAGAAGGACCAACTCAGATTACTTCTATGTGTAGCCATGCCTTCCATGTCAATTGTATAGAC  
ACTTGGCTCTTGTGAATTCGACGTGTCCTCTTGTCTGGAACCTCTTTAATCCTGGTTTTTCTGATTGAAAT  
CCAATGTACGATTTTGACGATCTGGGTGAAGAAGATGAATGCGCTGGTAATGCAGAACACAGGTTACCTAATT  
GTCAGAAAACAATGGAAATTCAAGAGGTAGTGAATGAGAANGGGGTTTTCCAGTGAGACTAGGGAAATT  
CAGAAGGATGGATGCAGCGGAGGTGGTAGAGACTGAAGTTGGTGAGACCAGTAGTAGTAATTTGGATGCTA  
GGAGATGTAATTCGATGGGATCGTATCAATATGTTGTTATAGACGCTGACCTCAGAATTGCGTTGTCTAAAGC  
TCGAGGAGAGGGTGATAATAACAGCCCTCAAAGAGGCGGAATCAAACAGCATCTCTCCAGTCCAAGCAGA  
TTTGGATGGAAAGAAGCTTAGTAGTGTAGCTAAAGGAGAGATTTACTCTGTTTGAAGATCTGGCTTTGGTCT  
AAAAAGGGGAAGTTCTCAGGTTCTACTGAACCGCAGATTGGTATGCCTTCTTCTAAATACAGACTTGCCGCC  
ATGGTTGAGGCAACACAAGGGCCATGATAAAATGGCCTCAAACTGTTTTTTTTTCTTTTTTTTAGTTGA

AAATGATCCTTATCAATGTTTGTGTATCCATTTAGATTTTTGTCTACGAAATTACCTTGGTGCTAACTTGTGAG  
TTATTGACTATTACAAAAGAGTTAGTATCCATAATCCAATAGTCCTTCCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_69 AY573572|Populus tremula x Populus tremuloides cellulose synthase (CesA2)  
mRNA, complete cds

AGTATTATTTTCATGGCACTTTTCATCTCTATAGCAGCAACGGGTATCCTAGAAATGCAGTGGGGAGGTGTCTG  
GGATCCATGATTGGTGGAGAAACGAGCAGTTCTGGGTATTGGTGGTGCTTCGTCTCATCTTTTTGCACCTTTTC  
CAGGGTCTGCTAAAGGTGTTGGCTGGTGTAAACACAAATTTCACTGTACATCCAAAGGAGGAGACGATGGG  
GAGTTTGCCGAGCTTTACCTCTTCAAATGGACATCATTGTTGGTCCCTCCCTTGACCTTATTGATCATAAACATT  
ATCGGAGTGGTTGTCTGGAATTTAGATGCCATCAACAATGGCTACGACTCATGGGGTCCGCTCATTGGTAAGC  
TGTTCTTTGCATTCTGGGTGATTGTCCATCTGTATCCATTCCTCAAGGGTTTGATGGGGAAGCAAGACAAGGTA  
CCAATATTATCATTGTGTGGTCAATCCTTCTATCATCTATTTTGTCTGCTTTTATGGGTCCGAATCAACCCCTTCC  
TCGATAAGGGTGGCATTGTGTTGGAAGTTTGCGGGTAAATTGTGACGACTAAGATGCCGAAATATACACGA  
CATGAAGGATTACGGGTAGGAGTTGTGTTTCTAATTTGTACGATTGAGCGTGGGGACTCACTAGTCTTGAACA  
TGCATTGAATAGAATACGGTAACGGTACTCCACCCGAGAATGCAAAGCATGAGTCAAAAGAAAGATGAGTTG  
CAAAAGGCTACTTGTCTGGATTGTAGATATGGAGGAATTTGCATATCACACATCATCAAAATATTTGTTCTCT  
CTGCAAACTTTGTTATTGATTCTTTTTTTCTTCTTCTATACATGGTTTTTTATTTTGTGGAAGGGACTGTAATTTA  
TATTTTGTGTCTGAAATCCAAGAGCACATAAACATAAAGAAAGGAGGTGGGTGTTAGTTTGATTCTTCATAAA  
TTTATCCCTTCTCAACAAAGGGATTTCCATTCCCTTAGGTGGTTTTGTCAAGATTAAGATTATTGTTGTTGTAT  
CCTTATTTGTTGTTGTAAATCTCTCTTACCCAATCAGGGTTTCTTCTTCTTCTTTTAAATTTATGG  
TTTCAATTTTAACTATGAAATTCTGCCTTGTGTAATCACAATAATTATAGTTGTCATCTTAATGCAATAATGG  
AGGGCTTCCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTAAAAAACCCCCACCCCCAAGGGGGGGCCCCGAAC  
CCAATCCCCCAAAGGGAATCCAAAACCCCCCCCCCTGGCCCCCTTTAAAAACCCCGGAAGGGAAAAA  
CCCCGGGTTTACCCAAAAAACCCCCCTGAAACCAACCCCCCTTCCCCCACTGGGGAAAAAAAAGGCC  
CCCCCAAATCCCCTTCCAAAAATTCCCAACCTAAAAGGAAAAAGGAAACCCCCCTGAACCCCCCAAAAAA  
CCCCGGGGGGGGGGGGGTTACCCAAACGGGCCCTAACCTTCCCACCCCCCAACCCCCCCCCCTTTTCTTT  
TTTTCCCTTTCTTTTCCCAATTTAGGCGGTTTTCCCGGAAAACTAAAAAGGGGGGCCCTTTAAGGGTCC  
AAATAAAGGGTTTACCGCCCCCCCCCCCCCAAAAAACTTAAAAAGGGAAAGGTCCCCCAAAGGGCCCCACCC  
CGGAAAACAGGTTTTTCCCC

>trans\_c\_70 NM\_121668|Arabidopsis thaliana TIC40 (TIC40) mRNA, complete cds

ACTCTCTCAACTAAACCCAAACCTTCTCTTCCAAGGGCTCTTCCAAGCCTATCTTCTTCTTCTTCTCCTTCAGTCCTCT  
GTTTATCATCCCACCAAAATTGTAAACCAAAATCAATGGATAGACTCAATTTAGCCCTAACATCTCCTCCCAAGTT  
TCTTTTCTCACTTATTCTTCTGCTTCTTCTATCTCCACTCCCTCCAGAACCAATCAATTATGTGCAACCAGGCGT  
TTATCAAGCTCCAGGATTAAGTCTCCTCCCAGAATTCTCGCTTCTGCTCTTAATCGTCGACCCAACACCGTATC  
CTCGTGGCTGAACGTTTTGCAACGGTTTCTTCTTCTACTACCAGCAATGACTCGTCTTCTGTTGGTGTTCATCA  
GTATCTATTCTCCCCCTCCTCATATGTTGGGTGCGCTCTCTTTGGGTGTTGGTGTGTTGGGCTTTAGCA  
TTATTTACATGGGTGGCTTCTTACTTAAAGAAATATGCAATGCAACAAGCTTTCAAGACGATGATGTCTCAAAAT  
GAATTCTCAAAACAGTCCGATGAGTAATCCTAACTTTCTGTCTGGATCACCTTTTCCAATACCTCCGACATTTGC  
AACTGGCACGACAGTTACTCCATCTGTTTCTGAACCTGCTGCGTCAATTGATGTAAGTGAACAAAAAGTTGAAG  
AAGAACCAGTTACTAATGTCAAACTGGGACAGAGAACATGGAAGCAAAGAAGTTTGCTTTGTAGACGTTTC

TCCTGAAGAACTGACCAAAAGAGTCCATTCAAGGAAGATGCCACAGATGCAGATGTTTCAAAGAATGCTCA  
GCCTACTGAGGAACTCCACAGAATGGAGCTGCTTCTAAGCAGGCATATATTGGTTCAGATGGATCACAATTC  
AGCCGAAAACCAGGCTCAGTGTTTTCAGTGGAAGCTGTGGAGAAAATGATGGAAGATCCAACGGTGCAGAA  
GATGATATATCCCCATTTGCCCAGGAGATGAGAAATCCAGAAACATTCAAGTGGATGATGCAAAATCCATTA  
TATCGTCAACAATTAGAAGAAATGCTTAACAATATGAGTGGAGCCACAATGGGACGGTCGCCTCATGGATT  
CTTTGAAGAACTTTGATCTTAGTAGCCCTGAAGTCAAGCAGCAATTTGATCAAATTGGGCTTACACCTGAAGA  
AGTTATTTCCAAAATTATGGCCAATCCCGAAATTGCAATGGCATTTCAAAATCCAAGAGTTCAAGCAGCCATCA  
TGGATTGTTCAAAAATCCACTGAGTATCACAAAGTATCAAAACGACAAAGAGGTCATGGACGTTTTCAATAA  
GATATCTGAACATTTCCCGGAGTTTCTGGAGCACCATGATAGTTGTAGCTGTTTTAGTACTGAATAGTATAAT  
ATGACAAAATGTGAATTTGTGGAAGCTTGAGCATGGTTCCTCTCCAATTGCAAAATAAGTTGGGGGAAGCCA  
TATCGGTCTTCTAGTTCTCGAAACGAAGTTAGCTGAGTAAGGTCTCACCTGCTTCAATTACATGAAATATATTG  
GAAATTTTGGGTGAGCTAATTCTTTTTCCCTTCTTAACTAAAGTTTCTGTGTATTACTTGCTTCTCAGGA  
GATCATGTATTTATTAGTGTGTTTGCATTTAATCAGTTTCATAGGAACCTCCTTGTTACAGTGGTCAGATTGTAA  
GTAAGAATCTTTTTATGTTCTTGATATATCAAGGCAGTCGATGTAATTTATATAAGTAATTTTGGCATATTCCT  
ATTTGCTTTAATTGAATGACATTGTTGGAGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_71 X98474|Solanum tuberosum mRNA for brittle1 protein

CATTAATAATTTCTTCAAACCTTCAGAAGTTCGGCCGCACTGTTTTTGGGTGGTGAAAGAGAGAGATTGCG  
TCTACCTCTCTCTCTACCTAATAGGTTTTCCCTTCCCATTTCTTCAATCTTCTTTTACAAATCCCTTCCTG  
AAAAACCCCTTTCTCCACCCACTTTTGCCTTTACTTCATGCGGCTTCTATTCTATCTCTTCTTCTCCTCGGTTTT  
TCCGCTCTTCAAATGGGTGTTCTTTGTTAATTCCTTCTTCTTCCAATACCTTTTACCCTTTTCCAGGATTTC  
ATACGGTTGCCCTTAATTTCTTCTAACCCGATTGTTTCTCGGTTTTGATTTATGGGTAGGAAGGAATTCGAG  
TTTTTGATGATTCCAATCATGGGTTCTTACGTTTTCTGGTTTGGGATCTCAATGTCGTCTCCATCAAGATGAAT  
CTTTTCTACCTGGTGGCTTATTTGCAAGCGTGGGGCAGATGGGTGTTGGCTTTGGAATTTCTCCAGATTCTTCC  
AATCCTCGCAACAATGGCGGCAATAAACTTGCTTACACCGATTTGTACATGAAGTACTTATCTTGGGTGGAAG  
GTTTTCGGATTCATGGGGCTAACGAAGAGGAAGGGGTTGTGAAGAAGAAGAAAGGTGGGCTTAGATTGAAA  
GTTAAAGTTGCTAATCCTTCACTGAGGAGGCTGATGAGTGGTGCTGTTGCCGGGGCTGTGTCAAGGACTTGC  
GTGGCGCCATTGGAGACAATAAGGACACATCTAATGGTGGGGAGTAGTGGAATCTACCACAGAAGTGTTT  
CATAATATCATGCAAACTGATGGGTGGAAGGGGCTGTTAGGGGAAATTTGTAAACATCATTCGTGTTGCAC  
CTAGCAAGGCCATTGAGCTCTTTGTGTATGACACAGTCAACAAGAATTTGTACCTAAACCTGGTGAGCCTTCA  
AACTACCTATTTCTGCCTCATTTGTTGCTGGGGCTGTGCAGGAGTTAGCTCAACATTATGCACATATCCTCTT  
GAGCTACTCAAGACCCGTTGACTATTAGAGAGATGCATAACGGTCTATTTGATGCATTCTAAAAGATAC  
TAAAAAAGAGGGGCCTGCCGAACCTACAGAGGCCTTGCCCCTAGTCTCATTGGTGTAATCCGTATTCTGC  
GACTAATTATTTGGCATATGACACATTACGGAAAGCCTATCGAAAAATTTGTAAGAAAGAAAGGATTGGAAC  
ATTGAAACCCTTTTGATTGGTTCGGCAGCTGGTGCTTCTCAAGCAGCGTTACGTTCCCACTCGAAGTAGCACG  
TAAGCAATGCAGGTGGGAGCTTTGAGCGGAAGACAAGTTTACAAGAATGTCATCCATGCATTGTAAGCAT  
ATTTGAGAAAGAAGGCATTACAGGGCTTTTCAAGAGGGCTTGGTCCCAGCTGTATGAAGTTGGTTCCTGCTGCC  
CGGGATTTCTTTTATGTGCTACGAGGCATGCAAGAGGATCCTCGTGAAGACGACGGTGAAGACTGAGGAGT  
AGACAACCTCTTTATATGGCATGATAGAGCAAGCAATTCGTGCTCTGAATTAGAGAGAGGAAACACAGTTTTG  
TTTTCTGTTTTTTTTTCTCCCTTAGCTTTTGTGTTGACCCCACTCCCCCACTCTTAACTAGATTTCCGGTGGT  
TTGCTAAGATTGCGTTCAAGGATCCCTTAGAAAGGCTAGAGCTGGATTTTCTTTTTAACTATTTATTTGGAT  
AATTTCTTATATGATACTGTTCTCATTGTTAGTCAATGCATAAGTACTTGTTCTAGTGGAACATGTCCAGTGTCG  
TT

>trans\_c\_72 NM\_121983|Arabidopsis thaliana TUA5; structural constituent of cytoskeleton (TUA5) mRNA, complete cds

CTGCGAGCCGGCAATTTCAATTCGGCGGCATCTTCTCCCCCCTCCTCTTTTCTTTTCTCTCTGTTTTCTCT  
CGATCCTTCCCTTCCTTGAGAGAGATTGGATTTTGATTTCGGGATGAGGGAGATTATCAGTCTTCATATTGGTCA  
AGCTGGAATTCAGGTCGGTAATTCTTGCTGGGAGCTTTACTGCCTCGAACATGGCATTAGCCCCGATGGTTTG  
ATGCCCAGTGACACATCGGTTGGTGTGTCACATGATGCTTTCAACACGTTTTTCAGCGAAACTGGTTCGGGCA  
AGCATGTTCTAGAGCAATATTTGTGGATCTGGAACCAACTGTTATCGATGAAGTAAGGACTGGGACATACCG  
ACAGCTTTTCCATCCGGAACAGCTCATATCTGGTAAAGAAGATGCTGCAAATAAGGGGTGCGAGAGGACATTAT  
ACAGTGGGCAGGGAAATAGTTGATCTATGCCTCGACCGAGTGCGAAAATTAGCCGACAATTGCACTGGTTTA  
CAAGGGTTCTTAGTATTTAATGCTGTTGGTGGTGGAACTGGATCTGGATTGGGGTCATTACTTTTGAACGCT  
TGTCTGTGGATTACGGAAAGAAGTCAAAGCTTGGATTTTCCATATATCCTTCTCCACAGGTATCTACTGCTGTG  
GTAGAACCCTACAACAGTGTGCTTTCCACTCATTCTCTGCTAGAACACACAGATGTTGCTGTTCTTCTTGACAAT  
GAAGCCATTTACGATATCTGTAGGAGATCATTGGATATTGAAAGACCAACTTACACCAACTGAACCGATTGA  
TATCCCAAGTCATCTCTTCTTTAACCCTTCCTTGCGGTTTGATGGTGCTATGAACGTGGATATAACCGAGTTTC  
AAACTAACCTTGACCTTATCCACGTATTCATTTATGCTCTCTTCTTATGCTCCTGTGATTTCTTCTGCAAAAGC  
TTACCATGAGCAGTATCCGTCCCTGAAATTACCAACGCTGTATTTGATCCCTCAAGCATGATGGTCAAGTGCG  
ACAAGCTGCATGAGGGACACATGGCGTGCTGTTTGATGTATAGAGGAGATGTTGTACCCAAGGATGTGAATG  
CTGCTGTTGCTACCATCAAAACAAAGCGAACAGTTCAATTTGTCGACTGGTGTCTACTGGCTTCAAATGCGGT  
ATTAATATCAGCTCCAAGTGTGTTCTTCTGGGGGCGATCTCGCCAAGGTGCAGCGAGCTGTCTGTATGATAA  
GCAATAGCACTGCCGTTGCCGAAGTATTTCAAGAATTGACCACAAATTTGATCTTATGTATGCTAAGCGCGCA  
TTTGTCATTGGTATGTGGGGGAGGGCATGGAGGAAGGTGAATTCTCCGAAGCCCGTGAGGATCTCGCTGCG  
CTAGAAAAGGACTATGAAGAAGTCGGAGCAGAAGATGTCGATGAAGAGGAAGAAGGGGAAGATTATTGAA  
CCCGTGAATAATAATATACCCTGTGTATCTTTTTTTTTTCCGTTGTTTTGTGTTTGTGTTTCTGTTAAGTCAAGTT  
GTGCAATGTTTCATACATGGTGATATATCTGAAGGTGTGGTTTCTGTTCTTTGTACGATTCTGGGGTCTGTC  
ATTCTATTGATTTGAAATTTTACAGTGTTTAGAACTACTTTGCAAAGTTTATTATAAGGAGATGAGGTTTCTG  
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_73 D85624|Citrus lanatus serine acetyltransferase (Sat) DNA, complete cds

GCCGAACGTGAAGAAGGAAAAACCCTGTCTCCCTAGCTCTCACGATTTCTGCTCGTCTATCCACTGCCGACGG  
CCGTTCTCGACGACGGTCGTTCAACCAACGACGGCCGTTCAACCGAAAAACAGAGCGAAAAATCCCTCCCTCT  
CTCGACGGCCGTTAGCCGACGACGACGACGTTTCTCCATTTAGTCACTGTAATTCATTTCTCCAACCATGCC  
AATCGGTGAGCTTCGATTTTCATCTCAGTCTCCGATAGCAGTGGTGGATTCTACTATGAATAATGATGAGACAT  
GGCTCTGGGGGCGAGATCAAAGCGGAAGCACGGCAAGATGCCGAGTCAGAGCCAGCACTGGCTAGCTATCTTT  
ACTCGACGATTTTGTGCGATTCATCACTGAGAGATCACTTTCGTTCCATTTGGGGAACAACTCTGCTCTTCGA  
CGCTTCTTTCCACTCTCCTTTACGATCTTTCTCAACGCTTTCTCCACTGATTATGGTCTACGATCAGCTGCTGT  
CGCTGATTTGCGAGCAGCTCGTGAACGGGACCCAGCCTGTGTTTCATTTTCCATTGCCTCCTCAATTACAAAG  
GTTTCTTAGCCTGCCAGGCTCATCGTGTGGCTCACAAGCTGTGGAATGAATCACGTAGGCCGCTAGCACTAGC  
ACTTCAATCACGCATTGCTGATGTCTTCGCCGTCGACATTCATCCTGCAGCAAGAATTGGGAAAGGCATTCTGT  
TCGATCATGCTACTGGTGTAGTGGTTGGTGAGACGGCAGTGATAGGCAACAATGTCTCAATTCTTCATCATGT  
CACTCTTGAGGGACAGGAAAGATGTGTGGAGACAGGCATCCTAAGATTGGGGATGGAGTCTTAATCGGTG  
CTGGAGCAACCATTCGCGCAATGTGAAGATTGGAGAAGGAGCTAAAATCGGGGAGGATCTGTGGTGCTG  
ATTGACGTGCCACCACGCACAACCTGCCGTGGGAAATCCCGCGAGGCTAGTGGGGGGGAAGGAAAAACCATC

GCAGCTCGAGGATATTCCTGGAGAATCCATGGATCATACTTCTTTTATATCCGAATGGTCAGATTACATTATTT  
GATAGTATTTTATACAATGAGTGGTTCTACATTTTGTCTCTCCGGCATTGCAGCTGTGAATTTTACTTTCCATTT  
ATACCTTGTCTATTACAATAGCCATTAGAGCAGATACATCGACTCTCTTTTGGCTTCCCCTGTAGTATATTCAC  
ACTCTTTTGCAGTCTTATCAGAAAATAAGTTTTGGCAAATAAAATAAAATGCAGTAACACAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCC  
CCCCCCCCAAAAATTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCCGGACCCCATTTCCCCCAAAGGGGGGCC  
AAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTAAACCCCGGGAGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTTAAC  
CCCTTTGAAACAACCCCCCTTTTCCCAGTGGGGAAAAACAAGCCCCCCCCATTCCCCCTTCCAAAA  
TTTGCCACCCGAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTTAACCGCCCAATAAACCGGGGGGGGGGGGGGGTTAA  
CCCCAAGCGGGCCCCCTACCTTGCCGGCCCCCAACCCCCCTCTTTCTTTTTTCTTTCTTTTCCCCCAG  
GTTGCGCGGTTTTT

>trans\_c\_74 D88420|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for stromal ascorbate peroxidase,  
complete cds

AATTCCAACCAAATCCATGGCTGCTACTGTTTTTGAACCGCTGTCGCCGTCGCCGCCGCTCCTCCTCCTCCGC  
CTCTTCAACATCTCGTTTCCTCTCCTCCGCCACCAGAGCTACACTATCTTTCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCCCT  
CCTCTCTCGCTCCTCGTCTTCTCCTCTTTCAACTTCTCAGATCCTCTCCTCTCATTTCTACCTTTTTCTCAACCA  
GGGAAGGCCGAATTCTTGTGGATCAAATAGAAGATTCAGTGCCTCATCTACTCCGAAATGCCTGGCATCGGAC  
CCTGAGCAGTTGAAGAGCGCTAGAGAGGATATCAAGCAGCTTCTGAAGACCACATTCTGTATCCTATTTTGG  
TACGCCTAGGTTGGCATGATGCTGGAACCTACAATAAAAAATATTGAGGAATGGCCACAGAGAGGTGGAGCTA  
ATGGAAGTTTAAGATTTGATGTTGAGCTGGGGCATGGTGCTAATGCTGGTCTTATTAATGCCTTGAAACTCATT  
GAGCCTATCAAAAAGAAGTATTCTAACATCACATATGCAGACCTTTTTAGTTGGCCAGTGCTACAGCTATCGA  
GGAGGCTGGGGGGCCCCAAATCCCCATGAAATATGGACGAGTGGATGTTGTTGGGCCGGAGCAATGCCCTG  
AAGAGGGGAGGCTTCTGATGCTGGTCTCCATCACCTGCTTCACATCTACGAGATGTTTTTTACCGCATGGG  
GTTGAATGACAAGGAAATTGTTGCATTATCTGGGGCACACACATTAGGCAGAGCTAGGCCAGAACGCAGTGG  
TTGGGGGCAAGCCAGAGACTAAATATACGAAAGATGGACCAGGTGCACCTGGTGGACAATCCTGGACTGTAC  
AATGGTTGAAGTTTGACAACCTCGTATTTTAAGGATATCAAGAAAAAGATAGATGAAGAATTACTGGTGTGGC  
AACTGATGCTGTTCTCTTTGAAGATCCATCATTCAAGGTTTATGCTGAAAAATATCTTCAAGATCAAGAATCATT  
CTTCAAAGACTATGCTGAAGCCCATGCCAACTCAGCAACCTTGGTGCTAAATTTGATCCTCCAGAGGGTATTG  
CGCTTGATGCATCTCCGAAACCTGCAGGAGAGAAGTTTGATGCCGCCAAATACTCGTATGGAAAGGATTA  
AAACAAGTCTCATGTTTTGTTGTGCCACGTGTCTTTAATAATACGAGTTGAAGCTTTATTCAAGTCTTGGCAT  
GTTGTGATGTCACGTCTAAAAAAAACCTGGAAGTCTTAAATGAAGGAGAAATGGAATAAGAAATTCAAT  
AGTATTGCCTATTTGAATTGCAGAGAGAGTTATCAGACTCAATGAAGCAGAAGATTCGGGCAGAATATGAAG  
CTTTTGGTGGAAAGTCCAGATAAGGCTTTACCAACAACTACTTCTTAATATCATTCTTGTGATTGCTGTTTTGG  
CCATTTTGACATCCTTGCTTGGAACTAATTTGAGTTCTTGAATCTACTTTTCTGAAATGCTTTGTTTCTCAACAA  
AAACATCTTATAATTTCTCGATTTATTTCTTCTAGTTCTTTAGTTCAACGATTTATATGGACGGTGAATTCAAAC  
CTTTGACTTCTTAATCAAAGGTACATATTTCAATTTAGTTATGTTTATATTTGTTGAAATGTTGAAATCTCACAT  
TGAAAAAACTAAGGGAACTCGTATTCTTTAAATAAATAAGCTATTTCTCTCCTTATCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_75 HM122570|Malus x domestica HD domain class transcription factor (HD12) mRNA,  
complete cds

AAACCATAACAAACAAACAAGAAGGGTATTGTGGTGACTACAAATTTGATCAGAAGCTTTCTGCTGCTGCCAT  
TAAAAGCCCACCAAGTTCTTCTCCTACGAAGAGAAGAAGAGGGAAGGAAGAGAAAAAAGGAAGAAGA  
TTCTCTTTTATTATCCTACAAACCCATAAATCAATTCCTCTCCATCTTCCATTTCAATCTTTGGAAAAAACTCA  
TCTCTTAATCGTTCTTCTTCTGAGTGATGGGGGTGAGCTGCCGTTGTTCCCACACTTCACACACCACTGAAATC  
ATAATCACCAGCTTTTTTCGCCATAAGCCTTAAGATTAACCACCAAAATCACAGACCCACTGGATAAATTTTATC  
CCTTTTTCTTGATGGCTGTTTGAAAAGAAGGAATCGTTTCTTTTCTTAGGCTTATGGCGGGCCGGAGAGTCT  
ACGGCGGGCGGCACGGTGGTAGTATAAGTGGTGGTTCTTCTAATCATAGTGTTTTACTTCAGAATTGTGGTG  
GTCTTTTGCTTCTGAGCCTCTTAATGCTCTGTTCTTTCTGGGTCTTCTTCTTCTCCTCCCTTCTCTGCTTGGT  
CAAGATCCATGATGAGTTTCGAAGATATTCGTGGAGGAAACGGATCGAATAGATCGTTCTTTGCCGTTAGA  
TAGTGAAGATAATGGGGATGAAGACTTGGATGATTACTTCCATCACCTGAAAAAAGAGGCGTTTAACCGTT  
GATCAAGTCCGTTCTCGAGAAAAGTTTCGAGACCGAGAACAGCTCGAGCCAGAAAGGAAAGTTCAATTA  
GCAAAGGACCTTGGTCTGCAGCCTCGTCAGGTTGCTATATGGTTTCAAAATCGCCGAGCTCGGTGGAAACTA  
AACAGCTGGAGAAGGACTATGAGGCTCTTCAATCCAGCTATGGAAGCCTTAAGGTTGACTATGAAAACCTACT  
CAAGGAGAAGGATTCACTAAAAGCTGAGATTCTTCTCCTGACAGACAACTGCTACACAAAGAAAAAGAAAG  
AGGAAACTCTGTGCTGTCTGAAGTTGACAAATTTGGTGAAGAATTACCACACAATCTGGTTGCTGATTCAAT  
TGGAGGATGAAGTTTCAAATCTTCAAAGCTGGGTTGTAAGCAAGAGGACATCAGTTCAGTCAAAAGTGATA  
TATTTGATTAGATAGCCCACTATACTGATGGGGTTTCTTCACTCCTAGAGCCTGGAGATTCTTCTATA  
TTTTCGATCCTGATCAGTCCGACTTATCGCAAGACGAAGAAGATAACTTGGGAAGGAATCTATTGCCCCCTTAT  
ATCTTCCCAAAGCTCGAAGATGTCGATTACTTGACCCGCCACGAGTTCTTGTAATTTGTATCCCCATTGAA  
GACAATGCCCTTTGGTCTTGTCTTAGTGAATCTTTTTCCATGTTGTGCTTCTTTACCATCTTCATTACCTAAA  
ACCATGTTTTTCTAGTAATTTAAGTCTAAATCCAAGCAATGGTAGCTCACGACCATATTTCTGTCCTAGTCGA  
GCTGGGTTTAGTTTCTGTGACGATTTCGATCCATCCTGTAATCTTCTTGGGTTTTGGTCGAGGGTGGCTTTTTAT  
TGTTAAATAATCCTTGTTTCTTTGAATGTGATTAAATAATATATTCTCAATTATGTTGCCACCTTGAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AACAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAACCAAAAACCACCACAAAAAACCCCAACAAAAACCCCACTATATCCGCC  
CA

>trans\_c\_76     DQ359123 | *Gossypium barbadense* ABC transporter II-like protein mRNA, complete cds

ACGAAGTTTCTGCACATTCCCATCTCTTTCCTTCATCTTTTAAATCTTTTCTGGGCGAGTTCTGTATCATTCTA  
CTTCATTCTCAAGCAGAACTCCTTAAACTATCCTTCTTACCTTGAGTTGCAGGATAAAATCGAGTTTTTTTTTT  
TTTTGCTCATAACCCCGTTTGGGTTTCTTTAAATTTGTGAGGTTTCGATTGCATTGAACTACTAATTCAATAGGA  
GGCTGATTTTGGACTGGTTGAATCGTGGGTGAGTTTACAATCTCAAAATTCATCTACCTTAAACGGGTCAAT  
CCCGGTAACATGGTTTCCATATCGGGTTCGGTATTCTCCCATTAACAGTACCCAATTGTTCTCTCGATCGCGT  
AAAGTTGCTGTTCTTGATGCGCATAATTCGTTTTGTTGTAAGATAAAGGACCAGAGAAGGATTGTTGCTTGTA  
ATTGCATTGCGCCTCTCCGTACTTCAAGAGTGATGAGTCATCTGCCGTAAATTCGAATGACTCGTTTAGATCA  
GAACATTTGAGCTCAGAAAATGAGGACAAGGATGAGTCTGATGTTCTCATCGAGTGAGAAATGTCCACAAA  
TCCTTTGGAGAAAAACATATATTGAGAGGTGTGAGCTTCAAGATTAGACATGGAGAAGCTGTGGGAGTAATT  
GGGCCTTCTGATACTGGGAAGTCTACAATACTGAAGATCATCGCAGGTCTTCTTCTCCAAACAAGGGAGAGG  
TGTATATTCGAGGTAAAAAGCGAATTGGTTTGATCGATGATGAACAGCTATCTGGTCTTCAATTGGATTGGT  
TTTTAGAGTGAGGCGCTTTTTGATTCATTAAGTCTCCACTAAATGTTGGTTTCTTTTGTATGAAAATTCAAG  
CTTGGCTGAAGATCAAATTCAGAATTGGTAAGTGAAGAACTACCTGCTGTTGGGCTAAAGGGAGTTGAGGAT  
CGTTTACCTTCTGAATTATCAGGTGGAATGAAGAAACGAGTTGCTTTAGCTAGGTCCATAATTTTGTAAACAC  
AAGGAAAGAAATTGAGCCAGAGGTGCTTGTACGATGAACCGACTGCTGGACTTGACCCAATTGCATCAACT  
GTTGTTGAAGATCTTATACGTTCTGAACATATTAAGGGTGAGGATGCTAGTGGGAAGCCTGGAAAGATTGCAT



CTTATATTGTAGTCACGCACCAGCACAGTACCATTAAGAGAGCTGTTGACAGGGTATTATTTTTATACCAGGGA  
AGGGTTGTCTGGCAAGGAATGACCGGTGAATTTACAACGTCTACAAATCCAATCGTTCAACAGTTTGCATCGG  
GAAGCTTGGATGGTCCGATTAGGTACTAGTGGATTCAAGTACGATGTACTTTTAGATTAGATGTAGCAGCGTT  
CCTACTTTGGAGACAACAGACTTTAGTTATGGAGAAGACAGAAAAGTTAACATGGACCAATTCTTACACATTG  
CTGAGAAAGAGAACAAGCATTAAAGCTCATTCTGTAATTCTGTTTCCTTTGTTAGAAATGTGTTCTTCGTTTGT  
ATTTCCATTGTTTCTGTAGTATTAGGCAAATGTAGAAGCTATGTGGGGATTATTTTTAGTTTTCTCGAAAGCA  
AGCAGAGAATCTCAGAACTAAAATCTTGCTTTTCCTCCATTGATGATAGCTTTTTCCTCCTTTCTATTATTCCTCA  
GCAAGAAAGGAAATTATTTTGAAACACAAAAGTGTCAAAAGTATTTATAAATATTATCTAAATTTACAGCCTA  
TTACTCATTAGTGCCTATAAACGTCTACCTAATTGATGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_77 FJ460228|Glycine max glycogen synthase kinase (GSK-3) mRNA, complete cds

ACACCCACGAAGCTTTCTCCCGATCTGACCCTTTCATTTCTCCCACCAATCTGTACCTCTGTTTTCTCCTTCAT  
GCCTCAAGATTTTACATTTTCATTGGTGAATGGTTAGTTTTATAAGGATCATTCACTGAAGAAAGCTCGTGACAT  
TTCCAAGAAATGGCGTCTATGGGTGTTGTTTCTACTTCAAATTTGAGAGAACCAGCTGGCCATAATGTTGGTGT  
TGATAGGTTACCTGAAGAGATGAATGACATGAAAATTAGAGATGACAAGGAAGTGGAAGCAACCGTTGTAG  
ATGGCAATGGGACAGAGACAGGCCATATAATTGTGACAACAATTGGTGGTCGAAATGGCTACTCAAAGCAGA  
CAATCAGCTACATGGCAGAACGTGCTGTTGGGCATGGATCATTGGAGTCGTGTTTCAAGCAAAGTGCTTAGA  
GACTGGGGAAACTGTGGCTATAAAGAAGGTTCTCCAAGACAAAAGGTACAAGAATCGTGAGCTGCAAACAT  
GCGGCTTCTTGACCATCCAAATGTTGTTGCATTAAAGCATTGTTTCTTCTCAACCACCGAAAAGGATGAAGTGT  
ATCTCAACCTGGTTCTTGAGTATGTCCCCGAAACAGTTCATAGGGTGATAAAGCACTACAACAAGTTAAATCA  
AAGGATGCCACTGATCTATGTAAACTTTACATGTACCAGATCTTTAGAGCATTGTCATATATCCACCGTTGTA  
TTGGGGTCTGCCACCGGGATATTAACCTCAAATCTTTTGGTGAACCCACATACTCACCAGGTAAACTATGT  
GATTTTGGGAGTGCAAAGTCTTGGTAAAAGGAGAGCCAAATATTTCTACATCTGTTCAAGATACTATAGAG  
CTCCTGAGCTTATTTTTGGAGCAACAGAGTATACTACTGCAATTGATATATGGTCTGCAGGTTGTGTTCTTGCT  
GAGCTATTGCTTGGTCAGCCTCTTTTTCTGGAGAGAGTGGAGTTGACCAGCTTGTGAGATCATTAAAGTTTTT  
GGGCACTCCTACCAGGGAAGAAATTAATGCATGAATCCCACTATACAGAGTATAAATCCCTCAAATTA  
GCCCCACCATGGCACAAGATATTTACAAACGTATGCCACCTGAAGCTGTTGATCTTGTGTCTAGACTACTGCA  
ATACTCTCCTAACCTAAGATGCACAGCGTTGGATGCCTTGACTCATCAATTTTTTGATGAGCTTCGTGATCCAA  
ATACCCGATTGCCTAATGGACGCATCCTCCGCCACTATTCAACTTTAAAGCTCATGAATTGAAGGGTGTGCCT  
GTTGAGATATTGGTGAATGATACCAGAACATGCAAGAAAACAGTGTCCATTTCTGGGTTATGAGTTTGAT  
TAGAAACATAACCGTTTGACCGGTGGTGAATTTCTTGACAAAGAAAGCTACGGGTGTCCAGTCTGTGCTATTC  
CTTCTGTTTGCTATGAGTATATCTCTGTATTACCTGCTACCTGTTTTGAAAGAGCAGATCTAGATATGTTCTTA  
ATGAATGGGTAACAACTCTATCTAATGTTCCATGTGTATTGAATTCGGGTTCAAGTGTTTAAATTTGATTAGG  
ATTTGGATGTAGTTAAGGTGAAGTTGGCAGCGGATTTCTTGGTCCGGCTGCCCTCGACGGAAGTGGCTTACCT  
GGCTACACAGTCTAGTTATTGGAAAAACATGTGTGTGCCAAGTATGTATCAACCTTTTATCTCCATGTGCAGAT  
GATGATGTATCTACTTCCACTTGTACACTTCTATGAACACGGACTTTCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_78 NM\_120277|Arabidopsis thaliana auxin efflux carrier family protein (AT5G01990)  
mRNA, complete cds

CTCTCAAAATCGCCATTGCCAAACCTCAGAGCTGCTTTTCAACTCTTTATCTTCATCCTCTTCATCCATTTTCAC  
TTTTTTTTTTCTTTTTTTGAAAATTCAGATTAGGATCTGTTCTTGTCTCTGAAAAGTGAAGCAAAATTTCC  
CGAACTTCATGTTTTGATGATTAAGTCCGAGTGTGAGATTTAGTCCGTTTGGAATTTAGTGGGTTTACAAAGG  
AACCCCTATTTTCATATAGAACGAGTTTCAGATTTTGAGTTTTGTTGGTGGTGATCAGAAGATTGAGTGACAAA

GAGGAGATGGACATGGAAAGATTTCTCTCAGCCATCGTCTCGGAAGTTCAAGCGGGAGGGAACTCTCTGCTT  
GTCATAATTAAGATTGCTGTGTTACCCATAGCCAAAGTTTTCACTATGTGCTTTCTGGGTTTTCTTATGGCATCT  
AAATATGTCAACATCTTGCTGCAAGTGGAAGGAAGCTTTTGAATGGGTTGGTCTTTTCGCTTTTGCTTCCATG  
TTAATATTCTCTCAGCTCGGGCAAGCTATTACTCTCGAGAAAATGCTTAAATGGTGGTTTTATCCTGCAAACG  
TTGTTCTGGCTTCGATATCAGGTTCCCTAATTGGATTAATTGTTGCATTAATTGTTGCATTAATTGTTCTGCTCTCC  
ATACCCCTTCTTCAAGTTCACAATTGTACAAATTGGAATTGGGAACATTGGAAATGTGCCTCTCGTTCTCATTGC  
AGCTCTATGTAGAGATGATATGAATCCTTTTGGTGATGAAGAGAAATGTAGCACTGATGGGATTGCTTATATT  
TCATATGGCCAGTGGGTTGGTGCAATTATCCTGTACACCTATGTTTATGCGATGCTGGCACCTCCACCTGAGG  
GTACATTTGACATCAAAGATCAAATATTCCAGTTAAGAATCTGCTAAAGGATAATACGCCTGCACATGTTCCC  
TTGCTCATTAGGAGGTAGCTTCAAATATCCGGATGCTCCTAAGAAGGAAGAGACTAAGGGCTTCCTTATGT  
ATTGGTTTGACAAATTGAAGCTCAAGCAAATTTTTTCAGCCTCCTATCATTGCTTCGGTCTAGCTATGTTATTGG  
GTGCAACTCCATTCTTAAGGCGATTGATCTTTACTCCTGATGCTCCATTGTTTTCTTCACTGATAGCTGCATAA  
TGCTCGGGGAGGCTATGATTCCATGTATCCTGTTGGCATTGGGAGGAAACCTCGTTGAAGGTCCTGGAAGTTC  
AAAACCTCGGGCTACGGACTACCGCTGCTGTTATTTTTGCAAGGTTGGTTTTGGTTCCTCCTGCAGGGGTTGGC  
ATAGTCATGTTAGCCGACAAGCTTGGCTTCCTCCTCCAGATGATAAAATGTTCCGATTGCTTCTTCTTCTCAG  
CATTCGATGCCAACATCTGTCTCTCGAGTGCTGTGGCTACTTTGAGGGGTTGTGGTAGAGAATCTGCTGCTAT  
TCTTTCTGGGTTTATATATTTGCCGTCATCTCAATGGCAGGGTGGTTCATCCTCTACTTCAGGATACTCTTCTA  
AAGAAATTGCAACCTTGTGAATAAGTTTCATATTCCAATACTTCTCCTTATTCTTTGTTAAATATGGGTGTCATT  
GGTACTTGATAGAGAAGACCAGTATCGCTTAGAAATAGTATTTTTTTGTTTGAGATGATTATGTATCCTAAAGC  
TAATAAGCGAATTAGTTGCTTCAATACGGTGGGTGTGAACAAGAGATATTCTATTAATGAATAATCCATGCTTC  
GTAGATCACATGGAAAAAGACATTATGGAGATGAATAAAGAGATTATGTTAATTG

>trans\_c\_79 AY104704|Zea mays PCO133361 mRNA sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCAAAGTATATATGAATAGATATAGATTAAATGAAGTAAAATTAGA  
AACCAATTAGAAGCGAACACGTGTCTTACATTGAAGAAATTTCAAACCCTTTTTTTGCTTTTCCTTCGTACGAC  
GTGTCGACTTTTGAATTGTTTCGTTCTTTTAATCTCATCGGTGAGAATATGCACACGATGATGATCGAACTCTTC  
GTAGCCATGAACGAAGATGATCCAAAGTTTCAGAACTTCAATTGCTGAGAATTTCTCTTCTTCTCATTGATT  
TCCATCTCAAATCCCTTGGAATTGACTTTCTTCGTTATCAATTTTGTGTTGGTTGATGAGATCGATCGAAAGGA  
TTTTCAACTGTAACCTAATCCGATTGTTTGTCTCTATGTTCTTTATGCTTCAATTTGATTGCTGGTGTTCTTG  
AGTTTTCTTAGTTCTTGAAGATGTTTTGGTTGGATCCGGTGGATTTGCCGCATGAATTGGACGGAAGGTTTG  
GGTGCGGATCGAGCGCTTAGAGAGTAGAGGAAGCTGAGCAGCGGCGCTGAAACATGTCTGCCATCGTGTGC  
GGGAAGAGATCCTTATTTGAAGACCTGCCTACGCCTCCCGTTTCTAAGAGAATTCGTTGTTTCGTTCTTTCGCC  
TGTGCGGTTTTGCCTCCTAGATCATCGAATCAGTCTGTTTCTCCCTTTCCCAGACGTGCTCCTCACAAATCGGC  
GTATTTAGTCGATTATCTTCGAGCAATTTTTCTGATATGGATAAGCAGCTTCTAGAAAGAGCACTTGAAGAAT  
GTGGTGATGATCTAGATTTAGCCATTAGAAGCTTGAACCAGCTTCATTTAGGATATAATGACAGAACTTGGG  
AAGTGCTTCAAACCTCTGATGTGGCTTTGGAAGCAAATGTTCAACCTCAATCTCAAGACACACAAGGAGAA  
GCTGCAATTGCGGAGGATGCAACAGCCTTGAGAATCTCCACAAATGGTGCAGAATGGGTGGATCTCTTTG  
TGAACGAAATGACAAGTGCCTCAAACATGGATGACGCACGCAGCCGTGCTTCAAGAGTTCTTGAGGTTCTAG  
AAAAGTCTATCTGTGCCCCGTGCAAATGCAGAAGCAGCAAATAATTTTCATCAGGAAAACAAGATGCTTAGGGA  
ACAAGTGGAAGCCCTTATTCAGGAAAACACTATTCTCAAACGAGCTGTCTCTATCCAGCATGAACGTCAAAG  
GAATTTGAAGGCAGGAACCAGGAGTTGCAACATCTCAAAGAATTAGTCTCTCAATACCAGGAGCAGTTGAAA  
ACACTTGAGGTGAATAACTATGCACTTACAGTGCATCTTAACAAGCTCAACAGAGTAGCTCCATTCCAGGGC  
GTTTCCACCCTGACGTTTTCTAATTCGGAATTACTACATTGAAACTGCGGTAAACTCGATCCTCACAAAGACTTCT  
ATTCTATCAAATAGATAATAGTAAGATGACCAACTTGAACCTCAATCAGTAGCATGTTTGTGGGTTCTCTTTT  
TTATCTATAAGGTACAAAAGAGTCCAGGCATCTACTTTTCCATCTGTCTAGTACATGGATTAATTCCTTCTCTT

CTTCTTTTTCATTTAGTTGTTTCTGTCCTACCATGGATTAAATTTGATTCCAATAGATATATCTTTTGTTATTAT  
TTTTGTCTTTTCATTTTACCTGATTATAGTTTGAAACCTGATTGGAATACAGAGAATAACACTTCGAACGAAAA  
AAGTTTCATTACTTTTCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_80 AB050471|*Flaveria trinervia* pck4-9 mRNA for phosphoenolpyruvate carboxykinase,  
complete cds

TTCAGGAGCCAAAACGGGAAGATCGCCTAGAGACAAAAGAGTTGTTAAAGATGACACCACTGAAAAGGAGC  
TTTGGTGGGGCAAGGGATCACCTAATATTGAGATGGATGAACATACTTTCTTAATCAATAGAGAGAGAGCTGT  
CGATTACCTGAACTCCCTTGATAAGGTATTTGTGAATGATCAGTTCTTGAACCTGGGACCCCCGAAAACCGAATCA  
AAGTCCGAATTGTTTCAGCCCAGCCTATCATTCTTGTTCATGCAAAACATGTGCATTCAACCAACTGCTGAA  
GAACTGGAGGACTTTGGGACTCCGGATTTACAATATACAATGCTGGGCAGTTTCCTTGTAACTGTTACACTCA  
CTATATGACTTCTCCACCAGTATAGATATGAATCTTGATAGGAAGGAAATGGTCATTCTTGGTACTCAATATG  
CTGGAGAAATGAAGAAAGGCCTCTTGTAGTTAATGCATTATCTTATGCCGAAGCGCCAGATTTTGTCTCTTCAT  
TCTGGTTGCAACATGGGCAAAAATGGAGACGTGGCCCTTTCTTGGATTGTCAGGTACTGGGAAGACCACGT  
TGTCTACAGATCATAATAGGTACTTAATAGGGGATGATGAACACTGCTGGAGTGATAATGGTGTATCGAACAT  
TGAAGGCGGTTGCTATGCCAAATGCATCGACTTGTCGAGGGAAAAGGAGCCTGACATTTGGAATGCTATCAA  
GTTTCGGGACCGTTCTTGAGAATGTGGTGTGTTGATGAGCACACTAGAGAAGTTGATTACTCTGAAAAATCTGTT  
ACAGAGAACTCGAGCGGCGTATCCCATGAATACATTCCGAATGCTAAAATCCCCTGCGTTGGCCCTCATCC  
AAAGAATGTAATTCTTCTTGCTTGATGCATTTGGAGTTCTCCACCAGTGAGCAAGCTGAGCTTGCCTCAGA  
CTATGTACCATTTTCATCAGTGGATACACCGCTTTGGTGGCTGGAAGTGGTGTGAAAGAGCCACAGG  
CAACATTCTCTGCTTGTTTTGGAGCAGCATTACATAATGTTGCATCCATCCAGATACGCAGCCATGCTAGCTGAG  
AAGATGAAAAACACGGTGCCACGGGATGGCTCGTAAACACCGGTTGGTCAGGAGGAAGCTATGGAAGTGG  
TAACAGGATCAAGTTAGCCTACACAAGGAAGATTATCGACGCAATCCACTCAGGAGCGCTTTTGAAGCAAAC  
TACTCCAAGACTCGAGTGTTTGGCCTTGAGATTCTGATGCTATTGAGGGAGTTCCTTCACATATCTTGGATCC  
AATAAACACGTGGTCAGACAAAGATGCCTATCAGGAGACATTGCTAAAGTTGGTGGTCTGTTTAAGAAGAA  
CTATGAAGGGATCCATACTTACCAAGTGGAGAGGGACAGTAAATTGGCTGAGGAGATACTTGACAGCTGGGCC  
CACTTTGTAATAAATTGGTAAAATGGAGGAGCATTTTCATGGATTTGGATAAAGAATGATATCATAAAATGACT  
GGCGTTGGTTGTAGCTTACAAATGAATGTGTGAAAGCTTCAAAGTTGAGAGTTTTTCCGGATAAATAAGATAT  
TGCATAGTTCATAGATATTTTTCTGTGATTTATGTTGTAAATCATAAGGTTTATATTTGTTATTTGTGTTTTA  
AGGCCTGAACTATTGTATGGTCTTTTAAATTGTAATTTATAGCAGAATCTGCTGATGAAATGTAATAGATTCA  
AAATCTACACATGAATAATATGTCACGTTGACTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_81 XM\_002874771|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* adenosine/AMP deaminase family  
protein, mRNA

CTTCTTCTCAGCAACCCGCTACCCGTAGAGACACACAAAGAAACAAACCGAAGCAGAGATGGAATGGTGCC  
AGTCGATTCTAAAGTAGAGCTTCATGCCACCTCAATGGCTCTATCAGAGATTCTACTCTTCTGGAGCTTGCC  
AGAGACTTGGGAGAGAAGGGTGTTTTAGTTTTTCTGATTCGAGCATGTCATCCTCAAAGCGATCGATCTCT  
TGTTGAAGTGTTCAAGTTGTTTGACCTATCCACATGGTCACCACGGACCATACAACTATTTCAAGAATCACTA  
GAGAAGTTATTGAAGATTTTGCTTCTGAGAATGTTGTTTACATTGAATTAAGAACAACCTCCAAAGAAAAATAA  
GTTAATTGGAATGAGCAAACGATCATATATGGAAGCAGTTGTGGAAGGTCTGAAAAGTATCAACAGTGTTGA  
TGTTGCTTTCATGCCACATGATGTTGATACCCACAGTCCATTGAATTCTCTGTCTACAGACAATAATTGTAATGT  
AACTCCAAGAAAAAGAATATATGTTAGACTTCTTCTGAGCATTGACCGGCGAGAGACCACTGAAGATGCCATG  
GAACTGTGAACTTGCACTGGAATTGAAAGATGTGGGAGTAGTTGGTATTGATCTTTCAGGAAATCCAATTG  
TGGGTGAATGGACTACCTTTTGGCCGGCTCTTCAATTTGCAAAAGAAAATGGTCTTGCCATAACACTCCATTGT

GGCGAGGTACCTAATCCGAAGGAGATACAAGCCATGCTAGACTTTTGGCCGCAGAGGATTGGCCATGCTTGT  
TTCTTTGAAGGAGACAACCTGGGAAAAGCTGAAACATTTGAACATTCCGGTTGAAATTTGCTTGACATCCAACA  
TCCGGACCAATTCAATCTCTTCACTAGATGTTCACTCTTGTGACTTGTACAAAGTAAACCATCCTTTAGTTA  
TCTGCACTGATGATTCTGGTGTCTTCTCAACAAGTGTTTCAAAAGAATACAGTTTGGCAGCCTCTGCTTTTGGTC  
TTGGGAAAAAGGAAATATTTCAAGTTGGCAAGAGACGCTATTGAATTTATATTTGCAGACAATGAAATAAGAA  
GATTCTGAATCAGGTGTTTGATTCTTACGTAACAAACCTGGCTCTATGATCTTAAGTGCATTTGATATGCACGG  
CATCCATTTCTCACGGGTTTTGTATTGCATCTCTCAGTAGCTTCCTAGTCCTTGGACAACAAATTACACATGAAT  
TTCTGAAGTCGTACAGCGGACAGCAGGAGATAAAGCACAACTTTTCATGTTTCCAGCATTCTCGTTGATGAAT  
GGAAATCTGATCAATTGAAAAGGCTTCTACTTCATTGATCTTCTCTGTTCTTTAAACCTGTAGTCTTTACTCTTCT  
GGACACTTGTTAAGTTATAGATAGATATAATTTGGTTCACATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGGGCCCGGAC  
CCCATTTCCCCCTAAAGGGGGTCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCCTTTTTAAACCCCGGGGGGGGGAAAA  
ACCCGGGGTTTCCCCAATTTAACCCCTTGCAACAAACCCCTTTTCCCAGGGGGGGGAAAAACAAAAAGGC  
CCCCCCAATCCCCCTTCCCAAATTTGCCAACCTAAAGGGAAAAGGGAACCCCC

>trans\_c\_82 L01448|Glycine max G-box binding factor (GBF2A) mRNA, 3' end

CTCTCTGCGAGAAATTTTTCTCCCTTTTGAAGAGCTTCTTTTTCCCCCCCCGAGAGATAATGCAGAGGATTC  
AAGCTGCTGTTTTGCCATCGAAGTTAGTTGAAGCTCAAGCTCTGCCAGCTGATCATAATCGGTGCCAAAGG  
TCTGTCATATTAACAGTGAGTTAATTTGTCCAGTTTGTAGCTGTATCTGTAACATGGGAAGTGTGAAGAGGCG  
AAGTCTGTGAAGACTGAAAAACCATCCTACCAACGCCGCGGATCAGAATGGTGTACCAAAATTCAGCCAGTA  
TTCATGTTTTCTGATTGGGCAGCCATGCAGGCATATTATGGTCCTAGAGTTGCAGTTCCACCATACTACAAC  
TCTGCTGTGGCTTCAGGTCATGCTCCGCACCTTATATGTGGGGTCCACCACAGATGATTCTCCATATGGTAC  
TCCTTATGCAGCAATCTATTCTCATGGAGGTGTTATGCCCATCCTGCAGTTTCTATGGGACCACATTCACATGC  
CCCTGGTGTTCTTCATCACCTGCGGCTGCAACTCCTTTGAGCATCGAAACACCTTCAAAGGTATCTGGAAATA  
GTAGTCAAGGTTAATGAAGAACTGAAAGGTTTTGATGGCCTGGCAATGTCCATAGGCAATGTTAGCACTGA  
GAGTGCTGAAGGGGAGCTGAGCATGGGCAATCAGAGAGTATGGAACTGAAGGTTCCAGTGATGGAAGT  
GATGGAAGTACTGCTGGGGCAAGTCACAACAAAAGGAAACGAAGCCGTGAGGGAACACCTACCACTGGTGG  
TAAGGATGCAAAAATTGAACCACAAGCAAGTCCTGTTACTGCTGCTGAAATGAATGAAAGCTCTAGCAAGTTA  
TTGGGCACAACCAAAGCAGTTAATGCTACTGGAAAACCTGGATCTGTGATTTCTCCTGGAATGTCGACTGCATT  
GGAAGTGAAGAAATCCTTCCAGTATGAATGCTATGACAAGTCCAACCTACCGTTCGCTTGTTCAGTGTTGCCTT  
CTGAAGTCTGGCTCCAGAATGAAAAAGAACTAAAACGGGAAAGGAGAAAACAGTCTAACAGAGAATCCGCT  
AGGAGGTCAAGGCTAAGGAAGCAGGCTGAAACAGAAGAACTAGCTCGTAAAGTTGATTGCTGACTGCAGA  
GAATGTTGCTATTGATCTGAAATAAGTAGATTGTCGGAGAATTCCGAGAACTTAAGAAAGAAAACCTCTACA  
CTAATGGAAAAGCTTAAAGCGCTCAATCAGGACGATCAGAAGCATTAGACATGAATGAAAAGAAAATGCAA  
CAACCTGTAAGCGCAGAAATGAAAGGACCTGTGAATAAAAGCATTAGCGAAGAGAGTATCATCTGCAAGAAA  
AACTCGAGTTCGGGTGCAAACTGCGCCAGCTCTTGGACACGAGTCCGAGGGCGGATGCAGTTGCTGCTAGC  
TAAAAGAACCAGTTTAATTGCAGTTTCTTTTTCTTTTTTTTGTGGTTTTGGCATATTACAAGCCCAAAATTACT  
GCTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTTACAAAGAATGAAAACAACTGAATAGGATTGTCTGTGAGAAAGAG  
CAGACTCTAATTTAATGGTTAGTTTGTGAATAGTTGTATTATTATGTGTAACGATAAAGAACACTGGGGTTG  
GCAACTTTTACAAACAATTTGATGTAATCGTTGGAGATTAGAGATTTTACATCTCTATGCGCACCTCG  
TGCCACATGATAATCATCAATTGCTGGATTGTAAGTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_83 D70895|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for 3-ketoacyl-CoA thiolase,  
complete cds

GGTACATGAAATAAATCGTAGATTAACCATTTCTTGATTTTTCTTTCTTCTATCGCAATTTCTCAAAGGAGAAA  
CCAAAATGGAGAAGGCAATCAACAGGCAGAAGGTTTTGCTTCACCATCTCCGGCCATCTTCTTCCCTTCACTCT  
CATGATTCTCCCTTATCGGCATCAGCATGTTTAGCTGGGGATAGTGCTGCATACCAGAGGAATTCGGTTTTTGG  
GGATGACGTAGTGATTGTTGCAGCATATCGAACTGCTCTTTCGAAATCAAAACGAGGTGGCTTCAAAGACACT  
CACCTGATGATCTTCTTGCCTGTTTTGAAGGCATTGATTGAGAAAACCAATCTCAACCCAAGTGAAGTTGG  
GGATATTGTCGTCGGCAGTGTTCTGGGACCAGGGTCCCAAAGAGCAAGTGAATGCAGGATGGCTGCGTTTTA  
TGCTGGTTTTCTGAACTGTGCCGGTGAGAACTGTTAATAGGCAATGCTCATCTGGATTGCAGGCTGTTGCA  
GATGTAGCTGCTGCTATCAAAGCAGGGTTTTATGATATTGGCATCGGTGCTGGTTTGGAGTCTATGACTGTCA  
ATCCAATGGCTTGGGAAGGATCAGTCAATCCAAAAGTAAAGATGTTTGAACAAGCTCAAAATTGCCTTCTTCC  
CATGGGCATAACCTCCGAAAATGTTGCTCATCGTTTTGGTGTGACTAGGGAGCAACAAGATCAGGCTGCAGTT  
GAGTCTCACAAAAAGGCTGCTGCTGCTACTGCTTCTGGTAGGTTTAAAGATGAGATTATCCCTGTGAGCACCA  
AGATCGTTGACCCTAAACTGGTGAAGAGAAATCTGTTACAGTATCTGTTGATGATGGAATTCGGCCCAATGC  
CTCATTGGGAGATTTAGCAAAGCTGAAGCCTGTATTTAAAAAAGACGGAAGCACCACTGCAGGCAATGCTAG  
TCAAGTGAGTGATGGCGCTGGAGCTGTACTCCTCATGAAGAGAAGTGTTGCAATGAAAAAGGGACTACCCAT  
TCTTGGTGTCTTTAGGACTTTTGTGCTGTTGGTGTGGATCCGGCCATCATGGGCATTGGTCCAGCTGTTGCTA  
TCCCAGCTGCAGTGAAGGCTGCCGGTCTTGAGCTTGATGATATTGACCTTTTCGAAATAAATGAGGCATTTGC  
ATCACAATTTGTGTATTGCCGCAATAAGTTGGAACCTTAACCCAGAGAAGATTAATGTTAATGGAGGTGCAATG  
GCCATTGGGCATCCATTGGGTGCAACAGGTGCCGTTGTGTTGCTACTCTGTTGCATGAGATGAAGCGGCGTG  
GCAAAGACTGTCGTTTCGGAGTTATTTCAATGTGCATAGGGACGGGAATGGGCGCAGCTGCTGTCTTTGAGA  
GGGCGACGTGGCTGACGAGCTATGCAATGCTCGGAAGGTTGATAACCACAATCTATTGTCCAAGGATGTTT  
TATAGATAGATGACAAGACTCTGCTGCTTTACACTTAATAATTTTATTATTATTTTTAAAAAACAAGA  
ACAATAATTTAGTTCTTCCAATAATTAGATGATAATAAGGTTCTATTGTTTGAGAACCTGATCGTATGTACGTT  
AATCTATCTTGATGATGGATGGACATAATCATATGAATGTGTGATAGCATAAACATTTTACAATTGTCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAATCCCATCGAC  
CCCCAAGAAGGGTAAGGATAACCCCTTAACCTATGGGGGGCCGATTACCCGTTCTCCC

>trans\_c\_84 AB078329|Lithospermum erythrorhizon LeME mRNA for cytosolic NADP-malic  
enzyme, complete cds

TTTTCTCTTTTACAGATCATCAAGGAAGTAATTATCTACTTTTTACAACAAATATAAAACCAGCGCCGCCAGT  
GTGCTGGAAAGCAACAACCTCAGGAGAAGAAGTTGATGCAGAACATCAGGCAGTATCAACTTCACTACAAA  
AATTTATTGCCATGATGGAACCTCAGGAAAGAAATGAAAGGCTCTTTTACAACTTCTTATTGACAATGTCGAA  
GAACTGCTTCCTGTTGTCTACACTCCACAGTTGGTGAAGCGTGTGAGAAGTACGGAAGCATCTTCAGGCGTC  
CTCAGGGTCTTTACATTAGTTTGAAAGAGAAGGGTAAGATTCTTGAAGTATTGAAGAATTGGCCCCAAAGGA  
GCATTCAAGTAATTGTGGTGACTGATGGTGAGCGTATTTGGGTCTTGGTGATCTTGGTTGTGAGGGAATGGG  
AATTCCAGTTGGAAAACCTTTCTTTATACACCGCACTCGGAGGAGTTCGTCCTTCTGCATGTTTGCCTATTACAAT  
TGATGTTGGGACAAACAACGAGAAATTGTTGAACGATGAATTCTACATTGGGCTTAAACAGAGAAGAGCAAC  
CGGAGAGGAGTACTATGAACTTCTAGATGAGTTTATGACTGCTGTTAAGCAGAATTATGGGGAAAAAGTTCT  
GATTCAGTTTGAAGATTTTGCAAACCACAATGCTTTTGAGCTACTTGCCAAGTATCGCACAACCTCATCTAGTCTT  
CAATGATGACATTGAGGGGACTGCGGCTGTCGTTCTTGTGAGCTGTTTCCGCCCTCAAACCTATTGGTGGT  
ACCTTGGCCGATCACACATTCTTGTTCTTGGTGCTGGAGAGGCTGGAAGTGGTATTGCAGAGCTTATAGCCC  
TTGAAATATCAAAACAGACGAAAGCTCCAGTTGAGGAGACCCGCAAGAAGATCTGGCTAGTCGACTCCAAGG  
GATTAATTGTCCACTCGCGTAAGGATTCACCTCAACACTTCAAGCAGCCATGGGCTCACGAGCATGAACCTGTC  
AAGGATTTATTAAGTGCTGTGAAGGCAATTAAGCCAACAGTCCTGATTGGATCATCTGGAGTGGGAAGGACT  
TTTACAAAAGAAGTCATTGAGGCTGTATCCTCCATCAACGAGAAACCTCTTATTATGGCTCTTTCCAACCCGAC  
GTCACAATCTGAATGCACTGCTGAAGAGGCTTACACTTGGAGTGAGGGCCGTGCAATCTTTGCCAGTGGAAG

TCCATTCGATCCATTTGAATACAATGGGAAGACCTTTGTCCCTGGCCAGTCCAACAATGCGTACATCTTCCTG  
GGTTTGGTTTGGGTGTCGTAATTTCTGGAGCAATTCGTGTCCACGACGACATGCTTCTGGCTGCCTCGGAAGC  
ATTGGCTGCCCAAGTCTCCGAGGAAAACACGACAAGGGATTGATCTACCCGCCCTTTACTAACATCCGAAAG  
ATCTCGGCAAACATTGCAGCTAATGTGGCTGCCAAAGCATATGAACTTGGTTTGGCAACCCGTCTCCACGCC  
CTGCAGATCTAGTCAAGTATGCTGAGAGCTGCATGTACAGTCCCGTCTACCGAACCTACCGATAAATGCAACA  
ACGTACCGTTCTTGTGGTTTGCATTTTAGAGCTTTTTAATAGGAGCTCTGTAATATCCTCATACTATGTGCTCTA  
AGAGAGAGCTTGAAATCTATTACCTGTAATGATGTAATGTTGTAATGTTTTTCTTCAGAAGTGAGAAGTTAT  
TTGTTAATGGAATAAGTTTTGTATCAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_85 XM\_002298382|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ATCCTAACCTAATTCTCTACGCTAATTCTCCCAAAGTACTCTGCGAGGGCAGGACATCAATCAATCGTCGACC  
ATCCGGAGCCCTCCTTTTCGTTTTTGCCGCTTGTTTTGCTTCATAATTTGTTATCTCTGTTACCTTCTTCACCAA  
AATCGCCGTGAATTTTTCTTCAGCAATTTACAGGTCTCCCTCAATTCCTTGATTGTTCTAGCAATGTCAGGTTA  
TCTTCACACAAAGTCTTATTTAACATTTTTCTAAATCTTCTCCAAAACCCCTATCCTCTGTTTCATGCGTCTCA  
AAATCATGGCGCTCTGTCATCGCTAATCCAAGTTTCATCAGCACCCATCGCAACCAATCTTTAACCTGCAACAG  
GAAACTCCTGATTCTCAGGCGGTATTATGGTAACACAACCAAGCAGAAATCCGGTATTGCTTCATTTGATA  
CAGACACATTGGATCTATACCAGGAGCTGAAATCCCATTCTCAATTCTGATGGGGATCTTAAGATTGTGGGT  
GTTTCCAATGGACTGGTTTGCTTTTTAGGTCTTGAGCTTCTCTTGTTGGAACCCATCAATTCAAAGAGTTGTGGC  
TGTTCTAGAACCGAGCGAACTGTCTCCATCTACGGTATCCAGATTACTACGCACTTGGAATTCGGCTTCGATT  
CTCGTGCCAACGACCACAAGGTGGTTAGATTGTTATATTTGAAGTGAAGGCTCCTTTTAATTATAAAAGATCT  
CCTAAAGTTGAGTTATATGAGGTTGGGACAGGTTTCATGGAGAGCAATTAAGGCTCCTCGCTGCGAG  
ATAGTTAAATCAGGATGGACACAAGCTTTTTCCACGGAGCTGTCCATTGGATTGCATACAGGGAAATTGACA  
GGGGTTATAGGTGTTTCATTTGAGATTGATATAGTTAAGGAGTGCTTCAGTACAATTGATTGCTGATTGT  
TTGGCTAATAGCTCACCATATGATTTGAAAGTTGCTGTGCTAGGAGGAGCACTTCCATTATATTGTGTCGCTG  
GTATTGTTTTGAAACATATATGTCTTCTGTTTGGGTGCTGAGAAAATATGATATCCCTGAGTCTTGGACTAAAT  
TAATCAGGTCTGGTCCATCACAAGAGTTGGGAATAGTGTTAGGACTTAGGGAAAATGGACTGATGCTTATGG  
AATCTAAAAGGGGGGAAGTAGTTTTGTACAATCCATATATCCGGCTTATGAGAAGTCTTGGAATTTATGGTGC  
TGAAGTACTTTCTATTTAGATTGCTATGTTGAGAGCTTGGCTTTACTGAATGAAGGGAAAGGAATTCGGAG  
AAAGTGGTTGAAGCTTATGATTAAGTCCTTAGTTTGCTGCTGCAAGATGATTGATAATAATGGTAACGATTTAT  
TTCTTAAAAAATATTGGGTCTCTCCCTTTTGGCATGTATATTATGTTAATGTTGATAGGCTCAGTATGATGTGAA  
CTTGATCCTCTTTAATTTGAAATATGGTCATGGTTCTTTGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTTTAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCGGA  
CCCCATTTCCCCTAAAAGGGGGGCTAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTACAACCGGGGGCGGGGAA  
AACCTGGGGTTTCCCAATTTTATCCCTTGGGAACAATCCCC

>trans\_c\_86 AF169795|Juglans nigra glutamine synthetase precursor (pIGS) mRNA, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

TAGTAGGATCTTTGTTTCTTCCATTTTAACACAAGCCACAGGAGAATCTCTATCTCTATCCTGCAACCTTCATC  
CCCACATTGTTCTTCTCCATTATCGGAAAAACCCAGTACAGGGTTTGCTTCCGGCCACTATCCGGTTGTTCTT  
TCAGTAGAGGCAAAAACAATGGCTCAGATTTAGCTCCATCCACTCAATGGCAACTGAGAACTAACTGACTT  
CAATGAGTTCAAGCCCCATTACTCCTAAGATGTGGAGTTCCATTCTTCTGAAGCAGAACAAGAAAGGAGCAGT  
AAAAAGCTCTTCAAAATACAGAGTCTTGTCTGTTAAATCTGTAGGTGGCACAATCAATAGAATGGAAGATCTA  
CTAAATTTGGACGTCACTCCATATACCGACAAGATTATTGCTGAATATATCTGGATTGGAGGATCTGGCATCGA

TTTGCGTAGTAAGTCGAGGACCATATCAAAGCCTGTGGAACATCCATCTGAGCTACCCAAGTGGAACATGAT  
GGATCTAGTACTGGGCAAGCACCTGGGGAAGACAGTGAAGTCATTCTCTATCCTCAAGCAATTTTCAAGGATC  
CCTTCCGTGGTGGCAACAACATTTTGGTGATTGTGATGCATACACACCAGCAGGCGTGCCCATCCCTACTAAC  
AAACGACATAGAGCTGCTGAGATTTTCAGCAACAAGAAAGTTGTGGATGAAATTCCTTGGTATGGCATAGAG  
CAAGAGTACACCTTACTTCAGACAAATGTGAAGTGGCCTTTAGGTTGGCCAGTTGGAGCTTATCCAGGTCCTC  
AGGGCCCTTATTACTGTGGTGTGGAGCTGATAAGTCATTTCGGTCGAGACATATCAGATGCCCCTACAAGGC  
TTGTTTATATGCCGGAATCAACATTAGTGGCACCAATGGAGAAGTTATGCCTGGCCAGTGGGAGTATCAAGTT  
GGTCCTAGTGTGGGATCGAAGCTGGTGATCATATTTGGTGCTCTAGATACATTCTTGAGAGGATCACCGAGC  
AAGCTGGAGTAGTTCTCTACTGGATCCAAAACCAATTGAGGGTGAAGTGGAGCTGGATGCCACACCA  
ATTACAGTACAAAGAGCATGAGAGAGGAAGGAGGCTTTGAAGTCATAAAGAAGGCAATTCTGAATCTGTCTC  
TTCGCCACAAAGATCATATCAGTGCTTATGGAGAAGGAAATGAGAGAAGGTTGACAGGAAAGCACGAAACA  
GCAAGTATCAACACGTTTTCTGGGGAGTGGCTAACCGTGGCTGTTCAATCCGTGTGGGACGTGACACTGAG  
AAGCAAGGCAAAGGTTATTTGGAAGACCGACGTCCGGCTTCAAACATGGACCCATATGTCGTGACCTCACTGC  
TAGCAGAAACAACGATACTGTGGGAGCCAACACTTGAAGCCGAAGCACTGGCTGCTCAGAACTGTCATTGA  
AGGTTTGAAGCCAACGAGTCATATTTGGTCTTGAGGGCAAAGTTCTAAGTGGATTGCGACAATTTACCAAACC  
CCTTGCGAAGAATTTCCCTCATTCTGTTAGATAATGCAGAGAAGACCTTTTGTAAATAAAGGTCTTGAAGTCTT  
CCAGTCAGCTTTTCAGAACAGTCATACATCCAAAAAATATTTTGAAGCAAAAAAACCTTCATCTGTGTACTTT  
GCAGATGGTGTGGCCAATTCTGATTGAAATTTATGTGATGTCAGATGTTCACTTTATTTGAATGTTTATTCAAT  
TGGATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_87 AY062520|Arabidopsis thaliana serine/threonine specific protein kinase-like  
(At5g15080; F2G14\_200) mRNA, complete cds

ATTCGAGGAGTTTTGAGATTATCTGTGTTCTTTGGGTACTTAAGGCATGGAGGTAATTGCTGAAGATGGGAA  
AGTTGAGTCTCGGGAAGTTAGGGAATCGAAGGGGAAGAAGAAGCAGAAAAACAACAAGGAACAAGTTGAA  
ACCGTGGAAGAGGAGACTGGTTGTTGGATTGCTCTGAGGATTTTGGTAGCTGCATTTCTTCGAGATCCAAAG  
TTGATAGTTTGATAAGTGGGACTAGTATCAACTATGCTGAAAGCAAGTCTACGGCTGATTCAAGTACAGACCA  
ACCAACTCCTCGAGAGATATCTTCAACAAACACAACACTATGAGTAATGGAGAGAGTAATTCATCGACTTCCAAA  
CTAGAAGAGGAACCTAAATTTCTCCTCATCTACAGAAATTTTCATTTAATGATCTTAAGTTGGCTACAAGGAA  
CTTCAGACCCGAGAGTCTTCTTCCGAGGGTGGTTTTGGTAGTGTTCTTAACGGTTGCGATGAAGAAAACGGA  
ACAGCTCCAGTTAAACCTGACACAGGACTCACTGTTGCTGTTAAAACCTCAACCATGATGGTCTTCAGGGCCA  
CAAAGAATGGATGGCTGAAGTTAATTTCTCAGTGATCTCAAACATCCCAACTTGGTCAGACTTATTGGTTACT  
GCAATGAAGATGATCAAAGACTGCTTGATATGAGTTCATGCCTAGACGAAGCCTAGAGAATCATCTTTTCCG  
GAGATCTCTACCACTTCCGTGGTCTATTAGGATGAAAATTGCACTTGGTGCTGCCAAGGGTCTTGCTTTTCTCC  
ATGAGGAAGCAAAAGACCTGTGATATATCGTGATTTTAAAACATCCAACATTCTATTAATGCCGAATACAAT  
GCCAAGCTTTCTGACTTTGGACTTGCAAAAGATGGACCCGATGGAGATAAAACCCATGTCTCTACTCGGGTGA  
TGGGAACATATGGCTATGCAGCTCCAGAATACGTTATGACTGGACATCTTACATCAAGGAGTGATGTTTACAG  
TTTTGGGGTGGTTCTTCTCGAAATGTTAACTGGCAGAAGACCCATGGATAAAAACCGTCCAAATGGTGAACAT  
AACCTTGTGGAATGGGCACGGCCATACCTAGGAGAGAAAAAGAGATTCTATCGCTTGATAGACCCTAGGCTT  
GAGGGTCATTTCTCAATAAAAGGTGCTCAAAAAGCAGTACAATTAGCTGCTCAATGCCTTAGCCGAGATCAAA  
AGGTCAGACCCTTGATGAGTGAAGTTGTTGAAGCTTTGAAGCCTCTCCCAAACCTCAAGGACATGGCAAGTTC  
ATCTTATTATTTTCAGACAATGCAAGCTGACCGTGTAAGATCCAGCCCCATGGCGAGAAATGGCTACCACACA  
GCGGCTGGACCAGCTCCAAAGAACGGGCAGCAACTACGCAGCTATTCAATCGCCAATGGTTCTCATGCTTCTC  
CATATCATCATCAGCAGCCCCATCCATCTCCAAAACCCAATGTCAAAGCCTAAGAATTGGGTTGTTTGGTAATT  
AATTAGTAATTATCTAGTTGTGTTAACCCATCTCATTTTGTGTCGTAATAGATCTCCTCCTTCTACCTCAGTATAG  
ATAGATGTTTATTTTGCAAAACAGCATTGCTGGTGGATCATTGAAAAATGCTACAGGCAGAGATGTCTGCAT

TATCATCATCTTGTTAAAATGGGAAACCTGGCAGAAAGAGTGTACGATAGCAGATGAATTTTGTTTCATCGATT  
TCAATGTCATATTGTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_88 XM\_002302195|Populus trichocarpa iaa-amino acid hydrolase 9 (ILL9), mRNA

TCTCCCTCTCTCTTTCTTTTACCATTTCCTCCTCCGCCGTTTCCACGCCGCCGGAATCTCTCCTCCTCTCTTCTC  
ACAATGGCCTCCTCTCTTAGTTTTTCTCAATTTTCATCATCGTCATTCACTTCTTCTCACTCTCCTCATCCTCTCCC  
GCTGGCGGTGATCATGCCGGCTCTCCTTAGTTGGCGCCTCCTGCGCCTTACAACCGCTCCGGATTTCTACTTC  
TCTCAAGAATCAGAGTATTGGAGCGTTGGTTTCTCAATTGGAATCTCAGAGTTGTGAGGTATGGACGGAGGGCT  
TGCTCTGAGGCGATCCTGAGTTTGGCGAAGCGGCCTGAGGTTGTTGATTGGTTGAAGAAGGTTAGGAGAAG  
GATTCATGAGAACCCGGAGCTTGC GTTTGAAGAATTCGAAACTAGTCAGTTAATTCGGGATGAATTGGACCG  
GATGGAGATTAGTTACGAGCATACGTTGGCTAAAACCTGGCGTTCGTGCTTGGATCGGAACTGGCGGACCGCC  
TTTTGTTGCTCTTAGGGCTGATATGGATGCTCTTCCAATCCAGGAAGCTGTGGAATGGGAGCATAAAAGCAGA  
GTCGCAGGCAAGATGCATGCGTGTGGGCACGATGCTCACGTTACAATGCTTCTTGGTGCTGCCAAGATTCTAA  
AGGCTCGTGAGCATCTCTTGAAGGGGACAGTAATTCTGCTGTTTCAGCCAGCTGAGGAAGCTGGCAATGGTG  
CAAAGAGAATGATTGCAGATGGGGCTTTAAGAGACGTTCAAGCCATTTTTGCAGCTCATGTTTCTCATGAACA  
TCCCACCGCAGTTATCGGATCCCGTCCCGTCTCTGCTTGCCGGCTGTGGCTTCTTAGGGCCGTGATTACTG  
GCAAAAAGGGTCATGCTGGTTCCCGCATCGCTCCGTTGATCCGGTCTTGTGCTGCTGCTGCCGTTGTCAGC  
TTGCAGGGGATTGTGTCTCGTGAGGCAATCCTTAGATTTCGAGGTTGTGTGAGTGACGTCGTTCAATGGAG  
GAAGTAATCTGGATATGATTCCGGACGCCGTTGTTATTGGTGGGACCTTCAGGGCTTTCTCCAATCAAGTTTC  
TACCAAGTTCTTCAAAGAATAGAGCAGGTAATTGTGGAGCAGGCCAGTGTGTACAGATGCTCGGCAATGGTT  
GATTTCTTTGAAAAAGAATACACCATATACCCACCAACTGTTAATGACGAAGCAATGTATGAACATGTGAAGC  
AAGTGGCAATTGATCTTCATGGTTCACAAAATTCAGGATTGTCCAACCAATGATGGGAGCCGAGGACTTTTC  
CTTCTACTCCGAGTTTGTTCTGCTGCCTTCTATTACATAGGAGTCAGGAACGAACTTTAGGTTTCGATCCACA  
CAGGCCACTCTCCCTACTTCATGATCGACGAAAACGTCCTCCCGATTGGTGCTGCAACTCATGCAACCATTGCC  
GAAAGGTACCTGTACGAGCACTGAGAATGACAAGCAAAGTTGTAGGGACTACTTCCATGGCACTCTTGTGTC  
TTCAAAAGAAGTTCTACTCCAAAAAATGTGATTAGTTCCACCCTCCAGAGAGTTTTCGGACTATGTTATGGC  
NGGGGGGTTGTGAAAGGAGAAAAAGTTGGTCGCTCCCGTCTTATTGTATATTGATTAGGAGACACGAGACAT  
CGTAGCTACCACGATACATTTTTGAATTTTTATTTATTTTGTGTCATGGTTAATGGTGTATATATGACC  
CTATAACTTTTTAACTTAAATTGAACTTGCCAAAAGGC

>trans\_c\_89 NM\_116866|Arabidopsis thaliana ATCSLC12 (CELLULOSE-SYNTHASE LIKE C12);  
cellulose synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATCSLC12) mRNA, complete cds

TGGACAACCCCATTTGGGGTTAAGGATGTTTTTGA CTGGTTTTATTCCAAATGGGTTTTGATTCCGGTTGCATA  
TTTCGCTCCTCTACAGTTTTTAGCCAATGTTGTATAGTGTTCCTCATTCAAACCTTTGGATAGGCTTATT  
CTTTGTCTGGGTTGTTTCTGGATTCGATTCAAGAAAATCAAACCTGTTCTAAGGTTGCTGCTATGGATCTTGA  
GTCTGGAGAACTGGCTACTTCCCTATGGTCTTGTTCAGATCCCAATGTGCAATGAGAAAGAGGTTTATCAG  
CAATCAATTGCTGCTGTCTGCAACTTGACTGGCCAAAAGACAAGTTACTGATTCAAGTTCTTGATGATTCGGA  
TGATTCAATCACCCAATTGCTGATCAAAGAGGAGGTACATAAATGGCAACAACCTGATGCCAAAATTGAATAC  
CGACATCGGGTGATCCGAGAGGGATATAAGGCTGGAAATCTCAAGTCTGCCATGAATTGTAGCTCTGTCAA  
GACTATGAGTTTGTTGCTATCTTTGATGCTGATTTTCAGCCTGCTTCTGATTTCTCAAAGAACAGTTCTCAT  
TTTAAGGATAATGAGGAAGTAGGACTCGTTCAAGCACGATGGTCATTCTGTAACAAAGACGAGAACTTGCTA  
ACCAGACTACAAAACATTAACCTTAGCCTTCCACTTTGAAGTAGAGCAACAAGTGAATGGTGTGTTTCTCAATTT  
CTTTGGATTCAATGGAACGCTGGTGTGTTGGAGGATAAAGGCTCTTGAAGAAGCCGGTGGCTGGTTGGAAAG  
GACCACTGTTGAAGACATGGACATTGCCGTCCGTGCTCATCTTCATGGTTGGAAATTCATATCTCAATGATG



TAGAGTGCCAATGTGAATTACCAGAATCGTATGAAGCATATAGAAAACAACAGCATAGATGGCATTTCGGGAC  
CAATGCAACTGTTTCGACTTTGTTTGCCAGATATAGTTCGTTTGAAGATTGGCATATCAAAGAAATTCAATTTG  
ATCTTCCTCTTCTTTCTTACGGAAGCTGATACTGCCATTTTATTCATTTACCCTCTTCTGCATAATTCTCCCTAT  
GACGATGTTTGTTCCTGAAGCTGAGTTGCCGGCATGGGTTGTATGCTACATTCCTGCTACAATGTCCTTTCTCA  
ACATCCTTCCAGCACCAAAGTTCTTCCCCTTATTGTTCTTACCTCCTCTTTGAGAATACTATGTCAGTAACCAA  
GTTCAACGCAATGGTCTCGGGACTTTTTTCTAGCTAGGTAGTGCATATGAGTGGGTTGTTACGAAGAAATCAGGC  
CGCTCGTCTGAGGGTGATCTTTCCTTAATGGTTGGGAAGAAAAAGATGAACTCTGAAAAGAGTGTCTCAGCAA  
ACAACCTTGAGGAAATTGAGTTAATCCAAAAACAGGACAAGAAGTTGCCAAGGAAGAAGCATAATAGAATAT  
ACATGAAGGAGCTAGCACTAGCTTTCTTCTTTAACAGCCTCAGCTAGAAGCCTCCTCTCAGCTCAAGGGATT  
CATTTCTACTTCTACTGTTTCAGGGAATATCCTTCTCCTCGTTGGTCTAGACTTGATCGGCGAGCAGGTTGTT  
TAAGATGAAAACCTCTGCAGTTCATCCAAAAATGACATAACCAATGATCTAAGTTCCAAATATGTGTTGAAAAAC  
TACCCTCACTGCTTAAAGAGTGTACATTTGTTGGCCACAATCTTCGTTGCCGCACTCCGTCGACCAAGAAGAA  
AGCTTGTGATGAGAAAGAAAATGCAAAAA

>trans\_c\_90 L36387|Spinacia oleracea nuclear encoded triosephosphate isomerase, chloroplast  
isozyme mRNA, complete cds

AATCTTGATCGTGAACCACAACTGACACCAACAGAAACACTTTCCTCAGTCCACTTCTAGCGGCGGAGCAC  
ATCACAGCCCAACCAAAACCAACCGAATCCATTTCTTACTCGGCCATGGCGGCGGTCTCTACTTCTCTCGCTTC  
TCAACTCTCACCTCTCCGATTCTCCTCTTCCAACCTCCGATACTTCTACTCTCTTTACAACGTCCACTCACAA  
TACGCCTTGCTTCTCCCGGAAAGTTTCCCGTGCGGTTGTCGCTATGGCCGGTTCCGGCAAGTTCTTCGTTGGT  
GGAAACTGGAAATGTAATGGTACAAAGGAGTCTATAGCCAAGCTTGCTCAGACTTGAACAATGCAAAGTTG  
GAGGATGATGTTGATGTCGTTGTAGCACCTCCATTTGTCTACATTGAGCAGGTGAAGAGCTCATTGACATCTA  
GGATTGAGATTCTGCCCCAAACTCATGGGTGAGCAAGGGTGCGCTTTTACTGGAGAAATCAGTGTTGAAC  
AATTGAAAGATATAGGCTGCAAATGGGTCATCCTTGCCACTCTGAACGGAGACATGTCATTGGTGAAGATG  
ATCAGTTTATAGGAAAGAAGGCTGCCTATGCCTTGAGCGAGGGTCTTGAGTAATAGCTTGCAATTGGAGAATT  
ACTAGAGGAAAGGGGAAGCTGGGAAAACCTTTGATGTTTGCTTCAACAATTGAAAGCTTATGCAGATGCTGTT  
CCGAGTTGGGATAGTATCGTTATTGCATATGAGCCAGTATGGGCCATTGGAAGTGGCAAAGTGGCTACACCC  
GAGCAAGCACAGGAAGTGCATGCAGCAATTCGTGACTGGCTTAAGAAGAACGTATCATCAGAAGTAGCTTCT  
AAAACACGAATCATTTATGGAAGTTCTGTGAATGGAAGTAAATGTGCTGAGCTTGCAAAAAAAGAGGATATA  
GATGGATTCTAGTCGGCGGTGCTTCATTGAAGGGTCTGAATTTGGAAGTATCGTTAACTCGGTTACTGCCA  
AGAAAGTTGCTGCTTGATAATTTTTTAGGAGCCCCAGTGTGAGCAAAAAAGGAAAGGATGGCAATGTTTTG  
TATTCATAACAAATATCCCTGGGTTTTGTTTCCATGCTAATCAAGTTTTCGGCGTGTTAGGGTCTTCTTTCAAT  
GAAGGCAAGAAAATAATATCCTTCTGTTGTATTCCTGAGGCTACTTTGCTATTGAATACTAGAGCACATAAATT  
ATTGGATCCAGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTATGGAAACCCCCCGCCCCAGGGGGGGC  
CCCCGCCCCCTTCCCCCAAGGGGGGGCCAAATACCCCCCCCCCGGGGAGGCCTTTTAAAAACGCCCCGTCC  
GGGAAAACCCGGGGCTTCCCCAATTAATGGCACTTGCCCCGAACCCCCCTTTCCCCCGGGGAAAAAAGAA  
AAAAGCCCCCCCCGACCCCTTCCCAAAAATTGCCCCCCCCAAGGGCCAAGGGGAACCCCCCTTACTTCCC  
CAAAAAGGCGGGGGGGGGGGGGGTAACCCCAACGGGGCCCCTTCTTTTTCGCGCCCCCAATGGCCCCCTT  
CTTTTGTTTTTTCCCCTTTTTTTTTTGACCAAGTTGACGGGTTTTT

>trans\_c\_91 NM\_001051488|Oryza sativa Japonica Group Os01g0873700 (Os01g0873700)  
mRNA, complete cds

TGTTCACTCTATTTTTCTTCTCTCTTTTCGCTGCAAAATTTGGAATTAGATGAAAATCTGCAGCAATCCA  
TGACCACCTATGAGCCTTCAATCTCCCCAATGATAACCTGAAAGGTTTCCTTCTTGCTATGTTATCCAGCGCCT  
TTATTGGCTCCAGCTTCATCATTAAGAAGGTAGGTCTTCGTGCGGGCTGGTGCTCCGGGTCACGAGCGAGTTC  
TGGAGGATATGGGTATCTATTAGAGCCCTTTGGTGGATCGGCATGATTACCATGATTGTTGGGGAATTTCC  
AACTTTGTGGCTTATATTTATGCTCCCGCCATTCTCGTGACGCCACTTGGAGCAATAAGTATAATTGTTAGTGCT  
GTACTTGACATTTTTTCTTGAAGGAAAAATTGCAGAAAATGGGTGTATTGGGGTGTATTTATGTGTTGCAG  
GGTCTACAATGATCGTGCTCCATGCACCTGGTGAACGTACTCCGAGTTCAAGTGGATGAGATATGGGAACTAGC  
AATTCAACCAACTTTCTTCTCTATACAGCCTCAGTAATAGCTATTGTGTTGTTCTGGTGTGATTGCGAACC  
CCGCTATGGACAGACAAACATACTCATTTACGTTGGGATATGTTCCATAATTGGATCCTTGACGGTAATGAGTA  
TCAAAGCTATTGGCATTGCAATAAACTCACAATGGAGGGTTGGAGTCAAGTTGCTCACTTCCAAACATGGGT  
CTTTTAATGGTTGCAATCTCATGCATAATTATTCAGTTGAATTATTTAAATAAGGCTTTGGACACATTTGACAC  
TGCTGTTGTTTCGCCAATTCATTATGCAATGGTCACATCTTTCACGATCTTGGCAGTGTGATAATGTTCAAGGA  
TTGGTCTGGCCAGAGTGCTAGCAGTATTGCATCAGAACTCTGTGGATTGTAAACCATACTTCTGGGACCGTG  
GTCTTGATGATACAAGATCACCTGATCCTGCTTCTGTTTCAGAGATGTACATGTCTGTCTCTCCTCAAGTGTG  
TGGTATTTCCCGCAAATGGCGACACCTGGAAACGGAATCTGAAGAAATACTATTGCCAGATTTTGATGCAA  
TCCTCAAACAAGACCATTTACATGAAAGTGAAAGGTAATTTATGCACCTACTACTGCATCTCCACTGCACACC  
AAACAGATGCAACCAATTTGGGAGAAATCTGGATATATAGTTAATTTCTCACATTATTAATGAGTTATTTA  
GTAGAGCGGTCACCACGGAGTTGTTTTCTTCTCCGCTTAGCTGCTTGAGATTGAAAGAACGGTAGGGCTTGT  
GTGACGTAGTATGTTCTTTGTAACAATTCATTTGTTTCTAAATAGGTAGCTGGAATTGAAACACAGCTTCATTC  
CCCTTCTTTTTACCTTTAGGCCTCACACCTCCCTCTCGTAACATTATTTGTAAAGTAGAACAGAGCTTGTGG  
ATGCAAAATGTAATCTGCTTTGTGTGATTCTTTTTTCCACTCGTCCCTTAGCCAAGGTAATATGAGATATTT  
GTAGGTAAAGCTGACTTTTCGGCCAAGTTGCCCTGAATAGAACGTAATAAATCACTGATGATTTGTTTACATG  
TTTCTGTAATCTATTACATAAGACACCCAATTTGATTATTGGTGAGAAGATGAATGTTGATTTGGTTGTGCTTG  
GAAATAACTAGAACTCGTTACCGTTAATGTTACATGATAGATATTGTTATTGTAGCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_92 AF059511|Arabidopsis thaliana 3-methylcrotonyl-CoA carboxylase nonbiotinylated  
subunit (MCCB) gene, complete cds

AGGGAATTTTGCTCAGCTGTCCTTCCTGATGGAGTTGATCGGAGCTCCGATACCTTCGCTCGCAATTCGGGTGC  
TATGGACGGCTTCATTTCCGAGCTTCGTTCCACATTAACAAGGTTCTAGCTGGGGGCGGGCCTGAAGCCGTC  
AAGAGAAATAAGAGTCGGAATAAACTACTCCGAGAGAACGGATTGATCGTCTTCTTGATCCTGGCTTTCCT  
TCCTCGAGCTTTCTCAGCTCGCAGGCCATGAACTGTATGATGAACCTTGCCGTCTGCTGGGATAATCACTGG  
GATAGGCCCTGTTTCATGGACGACTATGTATGTTTGTGGCCAATGATCCTACAGTGAAAGGAGGGACTTACTAT  
CCCATCACTGTCAAGAAACATCTGAGGGCTCAGGAGATTGCTGCAAAATGCAACTTACCTTGATATATCTGG  
TTGATAGTGGAGGGGCTTTCCTTCCAAAGCAAGCCGAGGTGTTTCCTGATAGGGATAATTTGGAAGAATATT  
TTATAACCAAGCTGTAATGTCTGCTCAAGGCCTTCCTCAAATAGCTCTTGTATTGGGTTCTTGCACTGCTGGGG  
GTGCTTACATTCCTGCGATGGCAGATGAGAGTGTGATGGTCAAAGGAAATGGCACTATATTTCTTGCCGGTCC  
ACCATTGGTGAAGGCTGCTACAGGTGAGGAAGTATCTGCAGAGAACTTGGGGGGTGCCAGTGATACATTGCAA  
GACATCTGGAGTGTCTGACTATTTTGCTCAAGATGAAATGCATGCACTGGCTCTTGGGAGAAGCATCGTTAAG  
AACTTGACATGGCTGGGAAAGAAGGTCTGATAAATGGACAGCAAAACATAAACCAAGGCTTCAAGGAGCCA  
TTATATGACGTCAGGGAACCTCGGTCTATTGCCCAACTGATCATAAGCAGTCTTTTGATATTCGCTCTGTCATA  
GCTCGAATTGTCGATGGAAGTGAATTTGATGAATTCAGAACTATATGGAACAACCTCTAGTTACAGGATTTG  
CCAGAATTTATGGTCAGCCTGTAGGAATTTATTGGAACAAGGGGATATTATTTAACGAATCTGCTTTAAAGG  
GGGCACATTTTCATCGAGCTATGCACACAGCGAAATATTCCTTTGGTCTTCTCAGAATATCACTGGATTTATG  
GTTGGCTCGAAATCTGAAGCAAATGGTATTGCAAAATCCGGGGCAAAATGGTCATGGCGGTTTCTTGTGCG

AAGGTTCCAAAAGTTACTATCCTCGTTGGCGGAAGCTTTGGTGCTGGAAATTATGCAATGTGTGGGCGTGCAT  
ATAGTCCCGATTTTTTTGTTCTTATGGCCAAATGCCGAATTTCTGTGATGGGTGGTGGCCAGGCTGCTGGTGTG  
CTGAGTCAAAATAGAAAAGAGCAATAAGAAGAAGCAAGGAATTCAGTGGGACAAAGAAGAGGAGGAAAGGT  
TCAAGGCGAAGGTCATTGAGCCATATGAAAAGGAAGGAAGTTCTTATTATTCCACAGCTCGGTTATGGGATG  
ATGGAATCATCGACCCAGCCGACACCCGAAAAGATTATCGGTCTGTGCATCTCGGCTTCCCAGAACCGTGCCCC  
TGAAGATACGAAGTTTGGTGTATTTAGAATGTAAAATTGCATTATGCATCAGATATGTCTCTGTTATACATTAG  
CAACAAGTATGTTTGGTGCTCATATTTGTTTTAATGTGTAACATAGATGTTTTTATGTACATGTTAGCTTTTCTC  
ATGTGTAACACTCTTTGTTCTCTTACATTCAAATAT

>trans\_c\_93 M73707|Mesembryanthemum crystallinum phosphoribulokinase mRNA, complete  
CDS

TTCCTTTCTAAACTGTAGTTTGTCTTCTGATCCATTCTAAATATTTCTCTGCATGAAAAGAAGAAAGGAAAAAG  
TGAAGGCGAAACCTGTTTTATGCTTCAGAAAACCAATTACAGAGTAACCAAAGATCTGAAGTTCAGACCATGGC  
AACAGTCTCTACAGCCAAGTCCCTTATCTACACACATTACTCAGTCTATTCATCATCAAAAACAAGCTTAGGAC  
ATCACCAAGAACAGATAGTTTTCTCGCAAGTGGCAAAAAATCCAAGAGTGGCAAAGCCAACACAAACCCATG  
GCTGATAACCTGCTCAGCAGGTGACCAACAGACAGTTGTGATTGGTCTAGCAGCAGATTACAGGGTGTGGGAA  
AAGCACTTTCATGAGGAGGCTAACTAGTGTATTTGGAGGTGCAGCAAAGCCACCAAGAGGTGGAAATCCAGA  
CTCCAACACACTCATAAGTGACACTACAAGTGTGATATGTTTAGATGATTATCATTATTAGATAGAACTGGAA  
GGAAACAGAAGGGAGTTACTGCACTTGACCCAAGAGCTAATGATTTTGATCTCATGTATGAGCAAGTTAAGG  
CTCTCAAAAATGGAATTGCAGTTGAGAAGCCTATTTATAATCATGTACAGGTCTTCTAGATCCACCTGAGCTT  
ATTAAGCCTCCTAAATCCTTGTCATCGAAGGCCTGCACCCGATGTACGATTCACGAGTGAGGGATCTTCTAG  
ACTTCAGCATTTACTTAGATATCAGTGATGAAGTCAAATTTGCTTGAAGATTCAGAGAGACATGGCAGAGAG  
AGGCCATAGCCTTGAGAGTATCAAAGCAAGCATTGAAGCACGAAAACCAAGATTTGACGCATATATCGATCCA  
CAAAAGCAATACGCGGATGCTGTGATGGAAGTATTGCCAACGAGATTGATTCCAAATGACAATGAAGGCAAA  
ATTCTTAGAGTTAGATTGATAATGAAAGAAGGAATAGAGAATTTCAATCCAGTTTACCTGTTTGATGAAGGAT  
CAACGATCTCATGGATTCTTGTTGGAAGAAAGCTTACATGTTCTTATCCTGGAATTAGGCTCTCTTGTAGCCCT  
CAAACCTACTTTGGTCATGAGGTAACAGTATTGGAGATGGATGGGCAATTTGATAAACTGGATGAGCTTATCT  
ATGTAGAAAGTCATCTAAGCAACATTTCCACCAATATTATGGTGAAATTACTCAACAAATATTGATGCACTCT  
GATTTCCAGGAAGCAATAATGGAACAGGCCTTTTTTCAGACCATTCTTGCTTGAAAATTAGACACCTTTATCA  
CCAAATTATAGCCACCACACAACCTCTCCCCGACTCAATCCGCAAAAACATAAAATTCATCTATCGTTTTCTGATG  
ACAACAACAGTAACGGAGCTAAAAATTGAATCTTCGACTTCTAGATCGAAAGATTATGTGGTCTTCTGTTAGG  
CTATGTGCACTACGTACCAATTTGGTTGGTTAATTAGTTAGTATTAGTCGTAGTTTTGTGCTATTGTGTTTAACA  
GTATGTAAAGTTGGAAGATTTTATGCCATGGGATGGAATATTAACTTTCAATATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAA  
AAAAAACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCGGCCCCCGGGCCCCCAAAAACTTTGCTC  
ACTGGCCGCCCTTGGGGGGGGGCGGGGCCGGA

>trans\_c\_94 AY112602|Zea mays CL6289\_1 mRNA sequence

AAATTCGCAAAATTGATAAAAGTTTTAGCTGACAAAGCCGCCATCTTTGTCGAAACCCAGAAGCTCTCTTTCAT  
TTTGGAGCTTTGAGTGATCGTCCATGGCGTTTCAAACACAAATTTGAAGAAGGCCCTCCGTGTGGCGAACTC  
GAAGTCGAAGGCGCTCCATGGCTTTTCAGGCTACCTTTTGCGCTTCTTTCTTCAATTCCTTCTTCTGCT  
GCCACGGATGCCGCCGATCCCAAACCTGTTCTTCCCTCGTTTGATTATGAGCCGAAGCCTTACAAAGGACCTCT  
CGCCGATGAAATTTTTCAGAAGCGGAAGAAGTTTTAGGTCCTTCGCTTTTCCACTACTACCAGAAGCCACTCA  
ACATTGTAGAAGGAAAAATGCAGTATTTGTTTGATGAGAATGGAAGGCGCTACCTTGATGCTTTTGCTGGAAT

AGTTACTGTATCTTGTGGGCATTGCCATCCTGATGTTTTGGCTGCAGTCAATGAGCAAAATAAACTTTTACAGC  
ATGCTACAACCATATACCTACACCATGCGATAGCTGATTTTGCTGAAGCATTGGCAGAAAAAATGCCTGGAAA  
TTTGAAGGTTGTATATTTGTAACTCTGGGACAGAAGCAAATGAATTAGCCATGCTTATGGCCCGCTGTACA  
GTGGTAATCTCGGTATGATTGCACTGAGAAATGCATACCATGGAGGAAGTTCCAACACAATTGGATTGACGG  
CTTTGAACACATGGAAGTACCCAATACCTCAGGGCGAAATTCATCACGTTGTGAATCCTGATCCATATCGTGGT  
GTCTTTGGGTCAGATGCTAGTGGTTACGTCAAAGATGTCCAAGATCATATTGATTATGGTACTTCAGGAAAAG  
TTGCTGGATTTATAGCTGAAACAATTCAGGGAGTTGGAGGAGCTGTTGAATTAGCACCTGGATATTTGAAACG  
TGTTTATGATATTGTTGCAATGCTGGTGGGGTGTGCATTGCTGATGAGGTTCAAACCTGGCTTTGGTGAACA  
GGAAGCCATTATTGGGGCTTTGAAACACAGGGTGTGATTCCCGATATAGTAACCATGGCAAAGGGTATTGGA  
AATGGTTTACCATTGGGAGCAGTGGTGACAACGCCTGAAATAGCGAGCACAAATGGCTCAAAAAAATTCAGTT  
CAATACTTTTGGAGGGAACCCAGTTTGTTCGCTGGGGGACTTGACGTTCTAAGAGTTATTGACAAAGAGAGG  
CGTCAAGCACATTGTGCTGATGTTGGTTCGCACTTACTGGAGAGATTGAGAGCTCTCCAGGAAAAATATGAAA  
TCATAGGAGATGTACGAGGAAGGGGATTAATGGTAGGTGTAGAACTCGTAACCGACCGGAAGGAAAAAACC  
CCAGCAAAGACTGAAACCGCAGTATTGTTGAGAACTAAGAGAACTGGGCGTTCTCGTCGGGAAAGGGGG  
TCTGCATGGCAATGTATTTGCAATAAAACCTCCCATGTGTTTACCAAAGATGATGCAGATTTTCTGTGCGATG  
CTTTGGACTATTCCATTTCAAAGCTGTAAACTTAAAGCTTTAATAAGGTAAAGAAGTCAGATTCAGTGT  
TTCTTTGTATGTAACCTAAACAAAATGTAGTTCTTGTGTGTATGAGTTTGTCAATTGTTCTATTGTTCA  
GTTAGAAGTTTATTGTACAATGACTTTGAACTTCTAAGAATAAAATGTAGTTTCGTTGTACATCCGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_95 NM\_001050368|Oryza sativa Japonica Group Os01g0673500 (Os01g0673500)  
mRNA, complete cds

TTGGATTGAAGTGGCCGAGAGACTCTTCTTCCAATATTGTTGCAACATCTAAAGTCTCTCCCCCTCTTTCACCTC  
CTCCGATTCAATTGCAGCATCAATGGCCGCTGAGGACGATTCTGCTCCAACCTCGTTGGACGTTCCAGGCACTCC  
TTACTTTCTCTTCAACTGTTTTTGTCTTCTGATTCAAGACGTTCTATGATTCCACATTTGGGAGAAAGAAGG  
AGTCGAAGTCTCGAAATGGTGAGACATCCGATTCGGCTTTGAAAAATGAGACTAGTTTGGGCACAGCGGCAA  
ATGGAACCTGCGCACGGGCTGAATTGGCCATCTATGAGCAGTTTCGATTGCAGAGTAACCTCAAGTTCTGCACC  
TGGTGCTGTGGCCAACCGTAATACGGTGACTATACAGAAGCCTTTGCTTCTCCATTAGAATCTGCAGAAATG  
CGCAACATAGCTGAAAGCATTGCTAGGGATATAATACGTGGAAATCCAGATATTAAGTGGGAAACCATCAAA  
GGTTTAGAACACGCCAAACGCTTACTTAAGGAAGCAGTGGTCATGCCAATAAAATACCCCAATTATTTTCGGG  
GTCTCTATCTCCATGGAAAGGCATCCTCTCTTTGGCCCTCTGGAACGGGAAAGACCATGCTTGCAAAAGCT  
GTTGCAACAGAGTGCAAGACAACGTTTTTCAATATTTAGCTTCTTCTGTAGTGAGCAAGTGGCGAGGTGACT  
CGGAGAAATCTATCAAGGTCTTATTTGAGCTTGCTAGGCATCATGCACCGTCTACTATATTTCTTGACGAAAT  
GATGCAATAATTAGTCATCGTGGTGAGGGACGCAGTGAACATGAAGCTAGTAGGCGTCTGAAAACAGAGTTG  
CTCATTGAGATGGATGGGTTGATGCAGACAGATGAACTAGTCTTTGTTTTGGCGGCCACGAATCTTCTTGGG  
AACTGGATGCAGCCATGCTTCGTCGTTTAGAAAAGAGAATACTTGTGCCTCTGCCAGAACCAGAAGCTAGAAG  
AGCTATGTTTGAAGAACTTCTCCTCCTCAACCAGGAGATGAGGATCTTCTTATGATATATTGATGGAAAGAA  
CGGAAGGATATTAGGTTCTGATATTAGATTAGTGTGCAAAGAGGCTGCTATGCAGCCACTACGCCGCTAAT  
GGCCCAACTCGAGGAACAACAGAATGAGCTGCCTGAAGATCAACAGGGAGTAGTGCTGAAGAAGAATTAC  
CCAAAATTGGACCAATCACAGCCTTAAACATAGAGACTGCGTTACTAAACACGCGGCCATCAGCTCATCTGGA  
TGCTCCCCGCTATGAAAAGTTCAATGCCGACTATGGAAGTCATTTGCGGCACTGAATTATCCCTCTCGGCAGCC  
TTCTTGATGTGCATGGGTAGTTTGGCGTGTTGTACTACAAGGCAAAGCATTGAATTGTGTTTCAACATAATAA  
TTTCCAACCTTACTAGTACCACAGTAGATTTATAAATGTATCATCTACACATTTGGGTCTATGAAATTATATGCTC  
AATTCAATTTGCAATTATCATTGATTTCTTCGTAAATTAGAGAAATGAGAACAACTTGGCCAGACAATTGAGC  
TTCAAAGGCTGTGTTTGGTCTTTATTAGTAGATGTGGGACTTGTTATATGGACCATCTTCTTTTATTGATGTAA

TTGTTCTTCATATCCGATAGATGTGAGAGTTTGACCTTTTTGTCAAATCAAATGCAGAATTGATGTGACCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_96 EF637045|Glycine max SAL1-like protein mRNA, complete cds

AAAAAAGAACTTTGACTTAAAATGAGGAAAGAAAGGGGCGAGGAGAGGGAGAGAGAAGGAGATGGCTA  
TAAATTTGTTGAAAACCTTTCCCAAAGTTTCAGACCTCCATTACTTCTAAACCTTCGACCTCTCTTTATTACCCAC  
CAGAAGCTCCTTCTCCTTCCCCTCATATCGTCCAGTTGCGTTAGCCGTTTGTTCATGTCTTATGAGAAGGAGCT  
CGCCGCTGCCAAGAAAGCCGCCTCTCTCGCCGCTCGTCTCTGCCAGAAAGTGCAGAAGGCATTGTTGCAATCT  
GATGTTCAATCCAAATCAGATAGAAGCCCAGTGACCGTAGCTGATTACGGTTCACAGGCGCTGGTTAGTTTTG  
TACTGGAAAGGGAACCTTCTTCTGAACCTTTTTTCATTGGTAGCTGAGGAGGATTTCGGGAGATCTCCGAAATGA  
GAGTGGCCAGGAAACGTTACATCGCATTACAGAACTTGTAATGAAACAATTTCCAGTGAGGGATCATATGGT  
GCTTCAACCTTAACAGCAGAAGATGTGCTTAGGGCTATTGACAATGGGAAATCTGAAGGAGGCCCTATTGGTC  
GGCATTGGGTTTTGGATCCCATAGATGGGACAAAGGGATTTCTAAGAGGAGACCAATATGCTATTGCATTGG  
CATTGCTTGATGATGGGAAAGTAGTATTGGGTGTCCTAGCCTGTCCAAATCTTCCCTGGGACCAATTAATAGC  
AGTAATCAGCATTCACTTCTTGGAGACGTTGGTTGCCTTTTCTTTCTACGGTTGGTGCAGGAACATATATGCA  
GTCACTAACTGGTTCTACATTAACAAAGGTGAGCGTCAGTGCTACTGAAAATCCTGAAGAAGCATCTTCTTTG  
AATCATATGAAGCTGCTCACTCTCTGCATGACCTTACGAGCGCCATTGCTCAAATCTTGGTGTTAAAGCACCA  
CCGGTTAGAATCGACAGTCAAGCAAAGTATGGTGCCCTTTCCCGAGGAGATGGAGCCATATACCTTCGCTTTC  
CTCACAAGGATACCGTGAAAAGATTTGGGACCATGCTGCTGGATGCATTGTTGTTACAGAAGCTGGTGGAG  
TCGTTACTGACGCAGCCGGGAATGCACTGGATTCTCAAAGGAAGATATCTGGATCTGTACAAGGGTACCAT  
TGTTACGAACCAGAGATTAATGCCATCACTCCTCAAGACAGTTCAAGAAGCTCTTAAACAGACAGCTTCTTCAA  
CCTTGTGATTTTTCTTCCCCTCGAGTGGGTTCTGTTGCGGTTGTTTTGAGCTTTGAATCCTTTCTTCCACCCGCT  
CAACTCTTCCCTGAATTGAACTAATCAGTTTTTCGGACAATGTCCGCTTTGAACTTCAACTGAACAAAATCTAG  
CAATAAAGCTCTTGATTTGGGTTATGCTGGCCTTTTATGATCATACCAGTAGACTCAAGTGTAACATACCATT  
GAAATTTTCATGGTAGAGATGTTAATTTTTAGCTTTTCTGACAACTAGATACTGTAGGCAAGGTGTAAGTTGATT  
GGGGGACATTTCATGGCTGAAAAACAAAAGCAAAGTACCTACTCCTCACTGCTAAGTAAATATCTCCTATGTTT  
ATAACGACTAGGAGAGACAAATGCTATGAGAAAAAGTACTTTTTATTTTCTTAAAGAAAAATTGTTGGAGTA  
TGTAAGAAAAAAGTAGTGTCAGCGATTAAATTGAAGGGATGCATAGTGATGAATACATCTTGTGTATAACC  
TAACCTAAGCA

>trans\_c\_97 XM\_002310908|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

TATGTGGAGGAATTTGATTGTGCAGGCTTTGTATCAAGTTGCTGTACTTCTTGTCTCAACTTCTATGCTATTGA  
TATTCTTCAATTGAATAAAGATAGCAAGGAGCATGCCTTTAGTGTGAAGAATACAGTGATTTTCAATGCATTTG  
TCCTCTGCCAAATATTCAATGAATTAATGCTCGAAAACCAGATGAAATGAATGTGTTTCAGCGGAGTGACGAA  
AAATTATCTCTTTATGGGAATAGTCGGAACAACGTTCTGTGCTTCAGGTTCTCATCGTCGAATTTGCTGGAAAAAT  
TTACTTCAACAGTAAAACCTTGATGGGAAACAATGGCTTATATGCTTTGCTGTGCGCCCTTGTGAGCTGGCCGCTG  
GCGGTTGCTGGCAAACCTGATTCCGGTTCCGGAGACCCCATGGCTAAATACTTCACAAAGCCAGTTCAACGAT  
GCCGAAGGTCACGTGCTGCTTAAATTTGGGATTTCTTCTCTTAAAAATAGCATTATTTTGAAAGACAAATTC  
ATAATTTAGTATCTCTAGGTTAAAATATACCTTTAATCTCTATATTTTGGTTATTATTACTATTTTTTTTTTA  
TTATTTGCTATAATTTAGTCATCACTCTATTAAGTGTAAACAGTCAAGTCCTGAGGTTAAAACCTTTTGGAGAA  
AAAAGAGAGAAAATCTCTATGGACTCGAATTAAGTGTCTTAATTGTTTACCATTCATGGACTTGAACCA  
GGTATTTTATGTCAAGGACTTGATTGTTACATTTTTTAAAGCATGGACTAAATTATTGCAAAATGAAAAA  
AAAAAGTATATATAAGAACCAAAATATTATTGGAGTAAATATAAAATTTAACTAATGTTTTATTGAATAATTT  
GGTGTAAGTCTTCCGTATATGTTTTCAAGTAATTAATTAAAGGTCTCGTTTTATGAAGACACGAAAAAGAAA

AGAAAACCACTTCTCTTTTGGTGATTTTCATGACAATTAATGCAATAAACTGAGTACGGACAGTGAAATTC  
ATCTTTTTTTCGTTTTGGACACAATGTTTTAAAATTACTTTTCGAGGGCAGTGCTATTTTGTAGATTTTCTTCTTA  
GTAATGCTGTTTTTTTTTAGAAGAATCCCATAATGTTTCATTGCTCAGAAGTTTGAGTTGTAATAATGAATAA  
AACAGCAGATTGTAAAGATATGTGCTGAAGGTTTACTCATCAGACTGCCTGTGTACATATCACCTTTACTAACC  
CATAAGATAAAAAGTGAAATTGTAAATTTACTTTTATTTTTACAGTGATTTGTTTCCTTTCTTTTGTATT  
CATGGTAATTGTAATGTTTAAGGGCGATTGATGATAAATACTCATAGTGATGTTATCAAAAGTTTGGAGGAAG  
AATCTTCAGATTTTGAAGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGGGCCGC  
CCCCCCTCCCCCATAGGGGGGAAATTAACCCCCCCCCGGGGCGCGTTTTTAAACCCGGGGGGGGGA  
AAACCCGGGGGTACCCCCATTTAAGCCCCTTTGAAAACCTCCCCCTTTCCCGGGGGGGGAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_98 AY079028|Arabidopsis thaliana AT3g08780/F17O14\_25 mRNA, complete cds

AATCGGCCATGGAAGACGATTCCTTGCACAAGGTTGCGATTTTCAGGCCCAATCTTAGCTTCTTTGATCCAACGC  
TTCTCCTCCTCCTCCGGCGCCGTCGACGGCCTTCTTTTCGGTCATGTCTCCGACGTTACCTTTTATCGCTCTCTG  
ATGATTCATCTTCTCAACCGACACCCAACCATCACTACGCGTCGCCACCGTCACCGGGTTTCTCTGCTCCGGTA  
CCACCAATAGCTTTTACGACTCTCTTGGACGTGTAGATTACAAATCGTTAACCGTCTTCTCGACCGACACCAGT  
CCGACGGTCAAGCTCAACCCACGATTCCTTTCTAGGTTGTTTTCCGGCCGCCGGAGGACTCAGCTTCGACCT  
TCCATGCGTGAATACTTAGTGAGTTCCTCTTTATCTTCGATGAAGCAATTGTCGTTTCTGTTAAGGATGCTGTG  
AATCCCACCAATTTTATCCCTAGTGTGTTTCTGCTTCTTACTTCGCCGCTATCCGATCAAATTATCCACACACAG  
AGTACCGCGCTTTCCAATTTCCGTCTTCCAATGAGTTCCTTGAGCCGAAATCGATTGACATTGTGAATATTGGG  
CCGGCATTTCGTGGTCACTATGGATCGTTTATCCCTAATTCTCTTTTCCCCATTTGCCCTGCGAGATGCGAGCT  
TCTCCGATGAATGAGGATAAGAATGATGATAATTTGAACATGATGAAGCAAACTCGAAAGACCAGAAGCAA  
ATGAATGTGTGCGCTGAAGGATTTGAAGGTGGGAACCTGAACCGTTTACTGGGTTCTGAGGCAGCAAATTAT  
ACTGCTGGGTTGACAGATTTATACGAAAAATGCTTGCCAAGACCGAGTGCTTGCGCGGCTTGTGAGGAG  
AGCTCTGCACAGGTTCTTGAGCAGGAAAACCAACAGGAAGTTAAGATATAAAGTTGCAAGGTACCCTGGA  
TTTGAGTAAGAAATTTGTTGCTACGACGGACGTTTTGTACATGGATTGGAAGAAGTCGACCTTGGAACGAAA  
CTGCAAACTTTTGCCATCAAGACCTGAATGCTGCATGCTGTTGACATTACAGTGGTGACTTTTTGAGCTGTATG  
GAGCTACCAAGCAATCCTGAGAAGTCTAGGAATGACCTTAAGTTTAGGCAGTTGTTGTTTGGTGGATGTCA  
TGATATCATCAAAAGATAGAATGAGTTCCTCACATCCTAGAGCGCCATTCCCTACCTTTTGTGACTTGAAGAA  
CCTACCCTGTTTGATATGATTTACATATTCTGTACAAAAGTGTTCTGTTATTGATTGGACTCCGTATCAATGTT  
GCTACTTCTAAGTTTTTTTTTTAGTGATTTCTCAGATTCCATTGGGGAAAAGCTTGTAGATACTTTCCTTCTCT  
AAGGTGTGCTGTTGAGGTGTATTTTTGGTGCTTTGTTCTTTAGAGTTGTGATTGAGAAGGAATCTTATTTTG  
TTCAAAGGTTATTGTGATTGATCTCTAGTATTCAATGGGATTTTGAAAAGAATAAAGAATACTTGAAGATCCC  
TCTCAGATAAGAACCAATATGTGGATGAAAGGGTAAGTAATGAGATTTATTTTGAGGGTATTTGATTACTTGG  
AAGAAACAAGCTCCCTTTTCTCATTTTCTAACAAGCTATTGAGAAAAGAGCTTCTACCCAAAAGGATAT  
CGCTTCATTGGTAAATATTTTGCCATGGTATTGTAACAATAAAATATAGTTGCTCGTGTGGTAGAT

>trans\_c\_99 NM\_001054764|Oryza sativa Japonica Group Os02g0767200 (Os02g0767200)  
mRNA, complete cds

AGTTTGAGAGTTAACTAGCGTTCCCCAAGCCCACAAACTACAAGAGCTAAGCCAAAAGGTGCGATGACTG  
AAATGCGCTCAGGCATGGGGATGGGCGGTCTTCTAATAATTATAATTGTAATGGCGGCTTCTCCAGCAGCTA  
TATGCTTCTAAACCCTGAAGAAGTCAAGTTTTGGATTGTTGCGTCTTGTGTTTCCAGCAACCTCAAAAAAG

GAGATTTGTAGATTCAAGCCACGCCAGAGAGCATAATTTCTGGCACAGATTCTTCATCTTTCTCTCTATTGTCGT  
CCTAAAGCTCCTCCGTTTCTTTGACAAACCCCTTGCCTTGCTGGCTTCTCCTCGAGTCCTCTCAATTTTCTA  
TCCCTCAACGGCGGCTTTTCCGGCATTCTCCTCAACTTCTCCGACTGAGGTTGAAAATACCGGACAGCTCATC  
GGCGGAATACTTGTGCATGATTGGTCACTTGACAGCAGAGTAACATTGGACAGAAGTATAAAACCTGGTGA  
TGTCATTACTTCGGTGCTCTTTGTATGATGGCCTCCAACTTTCTACGAGAATGAAGCTCACGTTGCACAAA  
TTGTGAAGGATGTCTGGAAGATGGAGTTCTTGGGATTTTCAATTTTGAATGACTATCAAGAAAAATGCTC  
AACGCAAGCATTATGATGCGTGACAAAAAGTTGATCACGATACCATCGTTGTGTCTTCAGAGGCACAGAG  
CCATTCAATGCCGATGATTGGAGTCCGACTTTGACATCTCTTGGTACGAAATCGAAGGCATCGGAAAAATTC  
ATGGGGGGATTTATGAAAGCACTTGGCCTACAAAAGTGCATAGGATGGCCAAAAGAAATAGAGCGACAAGG  
TCATGATGAAAGACGCCCTTTGGCTTACTACACCCTGAGAGAGAAGCTTAAAGAACTTGTGAAAGAAAATGA  
GCGGACAAGATTTGTAGTGACAGGGCACAGCCTGGGCGGGGCTTTGGCCATTCTATTTCTTCTATTTTGGTG  
TTCCATGAAGAAAAATTATTGCTGGAAGATTAGAGGGAGTGACACATTTGGACAGCCTCGAGTTGGAGAC  
CGCGCGTTTGGGGAATTCATGGTGAAATCACTCGCACAAATACAAGATTCGTTACTACAGATTCGTTTATGGTTT  
CGACATGGTTCCAGATTGCCCTTGATGACAAGGCGTTGATGTTCAACACTTTGGACCTTGATTTATTTTCG  
ACTGGAACATGTTGCACAGATTCTTGAAGAAGAGCCATTCAAGAACTATTTCTCGATAGTGGGAGCAATACT  
GATGAGAATACATGCGTGTTTGGAGATAGGAAGAAGCTTCACAATATCGTGGAGAAGGGGAAAGGAGTATG  
AGGAAAAAGTGTTCTTGAGAATTGTGAGGTTGTTTGGATTGTTGTTGCCTGGAATCTTGCTCACTGCCCTCAA  
GATTATGTTAATTCAACCCGCTTGGGTTCCACAAGTCACTTCTCAGTGAGTATGATGTCAAAGTTCAGTAGTT  
TCTTTTTTCTTTCTAAAAAGATATTATAATAATATACCTATATAGATAGTGATTTTGTATATATATTTTGT  
ATGAAAAATGTTTGTAAATGGACGAATATATATCTTTGTGTTGACCATATATATCTATTTGCCACAGTTAATT  
GGTCTGTACTTAAATCGACATCTTTCTATAGATTAACCAATTTTCTTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_100 AF403292|Vicia faba RNA-binding protein AKIP1 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTACCAATTTCTCTATTTTATTATATTCATTCATTTGTCAAAGAAAGA  
AAAAAAAAAAATATTAATATTCTAATTTGCTTTAGACTCGGGGGAGTCCGCCGAAACCTTTGTTTCTTCTTCTC  
TTCTTCTTCTTCTTCCCCTCTTCTTTGAAGCCGCCGGCTCAGTAGCTCTCCAATGGAGGGAACCAACAAAACCG  
CCAAAAGAAAGCTGGTCAAGAAATCTGAAAACAAGGTCGATAAGAACTCAAGAAAGAGCTTGAAGATAAC  
GTTCAGTCTCAACCACTCGACGACGTCTCCGACTCCGATTTGACGACCTCCCCAACTCCTCGAACCTTCTCC  
AAGACCCAATTAATTGAGCTCATTGCACCACCGCTCTCAAAGACCCAAATCTTCAAGCCCAAATTCGAGCTGC  
TGCAGACCGCGATGTTACTACCGCAAGATATTCGTCCATGGCCTCGGTTGGGACACCACCCGAGAAACCTTA  
ACTTCGGTTTTTGAATCTTTTGGTGAAATTGAAGATTGCAATGTGGTTATGGACAGAAACACAGGGAAGGCTA  
AGGGATATGGGTTTGTGTTTCAAATCCCGCAAGGTGCGATTAAGGCGTTGAAGGAACCTAGGAAGAAGA  
TCAATAACCGTATGACTTCGTGTCAATTGGCTTCTGTGGGTTCAGTGCCGCCCCCGCAAAGCCAGGAGGTTGG  
GCCGCGGAAGATTTATGTGGCTAATGTGCACCATAATGTCGATGCTGAGAGGCTTAGGGCGTTCTTTGCGAA  
GTTTGGAGAGTTAGAGATGGGTCCGATTGGGTTGATCCCGAGACAGGGAAATCGAGGGGTTATGCCATTTT  
TATTTATAGAACGAATGAAGGTGCGAGGAAGGCTCTTGAGGAACCACACAAAGTGTGTTGAAGGGGATAAATT  
GCACTGCCAGAGGGCGTCTGAAGGGAAGAACAAGAATCAAATTCACACAGGCCGCGCAAAGCTTAGGGC  
AGAATCAGACGCCGTTATGGCAGCAATGGCCGAGCTCCAAATTTGCAATTGTTTGTCAACATCCGGGCTT  
TAATCCGGTGTATGGTGGATATGTGAGTCCAGCTTTGGGAGGTGGTGTGTTGAACCAGGGAGTAGTTCCCAT  
GAGTCAAGTGGGTCTGGTTGGTAGTTCAAGTTGGGGCTGGGATTGGCTTGAGTGGTTACAGTGGGGGGTCTG  
ATGGCTTAAGTCAATTAAGTGCTGGTGGTTCGTCATTGCTAGGCACTTATGGGTCTGGTTCGTCATCGTTGAA  
GGGTTGCCGCACCTTACTCGAGCACAATGCTTGGTAAGACGGTTTCTGAATCGGGTCAGGCGGCTGCTGG  
TGGGTCTCTCGGTGGATACACGTCACACTTGTGATGCTTGGGAATCCATATTTGCGTTTGAGGTGCTGCTGAA  
CTTGTTGATGAATGATCCTGTACTTTGGGAAGTTTATGTGAAGAGCTTCATTTGGGCTAATTTGGCTTTGATA

CCTTTTCCAACAAACCCCTTTTCGTTTCCTCTTACCGTGTTTCCTTTCTTTTCTTTTTCTTTTCTTTTCCCTT  
CCTTTTCTTCTTTCTCCCCTCTCGTTTTAGTTTTATGTAGTAAGGACCTGCTGATTGGCACCAGCCTTGTGTTTT  
ATACTTCACTTTGTCAATATTATCATTTTTAATCTTTTAAAGTTTCGTATATATATGCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_101 NM\_001058470|Oryza sativa Japonica Group Os03g0854100 (Os03g0854100)  
mRNA, complete cds

AGTTTCAGTCCGATCTTCTTCTTCTGCCCATCCTCTTCTTCAATTTCCCAAAGGTGGTGTTCGTTCAAGCACAC  
CCCCTTGGGGATTTTTCTTTTCATTTCCCTTTCTAATGGCGTCCGACAGCTTTCCGACAAGAACCTTGTTTTCA  
GAAAACTCAAAGCCAAGTCCGAGAACAAGATGTGCTTTGATTGCAATGCCAAGAATCCGACTTGGGCTTCTGT  
TACATATGGGATCTTCTCTGTATTGATTGTTCTGCCGTGCATCGCAGCCTTGGTGTCCATGTTAGCTTCGTCAG  
GTCCACAAATTTAGATTCTTGGAGTGTGGAGCAGCTTAAACAATGAGCTTTGGAGGGAATAACCGAGCACA  
GGTTTTCTTTAAGCAGCATGGATGGACAGATGGAGGCAAAATTGAGGCTAAATATACGTCTAGAGCTGCTGA  
GTTGTATAGGCAACTACTTTCAAAAGAAGTTGCTAAAAGTATAGCAGAAGAGCCGGCATTGCCATCTTCCCCA  
GTTACTTCTCAGTCAGACCTAGTAACAAATGGACCTCCCGATATCAAACTAGTGCAACGGCAAAGGACCATG  
TCTCAGGAAAGCAAGAAGCTCCAGAAATTTCTGCTTACCAAAAAGCTTCTCAGACGGTATTCTCGAGTACTGTT  
AAGAAGCCCATTGGTGGGAAGAAACCAGGAAAGACTGGGGGACTTGGTGCTCGAAAGCTTACTACAAAGCC  
AAGTGAAAATCTATATGATCAGAAACCTGAAGAACCTACAGTTCCAGTTTCATCTTCAACGGCGCCCAAACT  
GCTGCAACTGGTTCATCTTTGCATCTCGCTTTGAATATGTAGAAAATGTCCAATCATCTGATGTGAATTCTAGT  
GGCTCTCATGTACTTAGCCATGTAGTCTCCCCAAAAGCATCGGGCTTCTTTGCTGAATTTGGAATGGACGGTG  
GTTTTCCAAAGAAAGGCAGTTCAGTTCCTCAAAAGTGCAGATTGAAGAAAGTGACGAAGCAAGGAAGAAAT  
TCTCCAATGCCAAATCTATTTATCAGCCCAATACTTTGGTGATCAAAACAGAGCTGATGCTGACGCTCAGGTC  
TCCCTCCAAAATTCTCGGGCTCAGCTTCCATCTCTAGTGCTGATCTATTTGGTAACCAGCGAGATAATATTCT  
GCCGATCTTACTGCAACCGAGTTTATTAACCGGCTTTCTATTAGGCACAGCAGGATCTTTCTTCTCTCAAGAAC  
ATTGCAGGAGAAACAGGGAAGAAGCTAAGCTCTTTGGCATCTACATTAATTACAGATCTTCAAGACAGAATCA  
TTTGATTATTTCAAATGTTCCCTTTTCATTGTAGAATTTGGCTTGAACCTCGATACGGTTTTTATTACCAGTGATT  
TTATTACTGAGGAATGTAAAGAAATTTAGTATAAAGATTCTTTCGGAAAGCAACCCTTTTACACAGGACTTGA  
ATATTGCTGGTGGTCTTTTGTCTTTCTAGCTGCTGCAGTGAACATGTGCTTTAGTTCTACTTTTTGTAGCAA  
ACAATACATACCAGATTTTCTCCACCAAACTTGGCATTCCCTATCTCACAAGAGCTTAGGACCTGAATTTGTAT  
TGAGTTTTGGTTATAGTTGTGAAGGTATTATTGTATGTGTTTCAGTAATAATTTGAGTGCTATATTTAAATAACT  
AANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_102 NM\_179719|Arabidopsis thaliana serine carboxypeptidase S28 family protein  
(AT2G24280) mRNA, complete cds

AACTCCCACTCATCTCCAACAATGGCCGCTGCTCCATCCATTTCCCTTTCAATTTTCTCTTCTTTCCCTCCATTT  
CACTTCTTCTTCTCCAAAATCCCCCTTCCCTTCCATTCTTCCCTTCTCCTTCGCCCTCAGACTCCCCCAATCGATC  
CCCTCTCCCCTACCAGACCGGCTTCTTCACTCAGATCCTCGACCACTTCAACTTCAATCCCCAAAGCTACCAAT  
ACTTTCAACAAAGATATCTCATCAACGATACCTATTGGGGCGGCGCTGCCCATAACTCTCCATCTTCGTTTACA  
CCGGCAACGAAGGTAATATCGAATGGTTTGCACAGAACCCGGTTTTCTTCTCCAATCCGCTCCACGTTTCCGT  
GCACTCGTCGTTTTATCGAGCATAGGCTTACGGGAAATCGATTCCGTTTGGGGGAGATGAAGATGTGGCTA  
ACAGTAATTCCAGTACGCTTGGATTTTGTAGCTTACTCAGGCCTTGGCGGATTATGCTACTCTCATTACCGATT  
TGAAGAAGAATTTGTCGGCGGTTGATTCTCCGGTTCTGGTCTTTGGTGGCTCTTATGGAGGAATGCTGGCAGC  
ATGGTTTAGATTGAAATACCCCAACATTGCCATGGGAGCTTTAGCATCATCTGCTCCATTCTCCAGTTTGAAA  
ATATTACTTCTCCCTATGCCTTCTCAACATCGTCACCCAAGATTCAAGAGTGAGAGTCAGAACTGTTACAGG



GTGATTAAAGAGTCATGGCATCTGATTGACATCACTTCAACCCATCCACAAGGTCCCCAGTTGCTTCGCAAGTC  
TTTCAAATTTTGAAGGAGGCGGAGGCAGAATCGATTAAAACTGGTTGTCGACGGCAATATTGTACACGGC  
AATGACCGATTATCCCACGCCCTCTAATTTTTTAAATCCCTTGCCAGCTTATCCAGTTAAACAGATGTGCAAGGC  
AATTGACGATTCAAGGACTGGGAACGACACGTTTGCGAAGTTGTATGGTGCGGCTAACGTCTATTATAACTAC  
ACGGGCACCGCTACGTGTTTTGATCTTGACGATGATTCTGATCCTCACGATCTTGAGACTGGACTTGGCAGG  
CATGTACGGAAATGATATTGCCAACAGGTGGTAACACAAAAGAAAGCATATTTCCAGCCTCAACATGGCACTT  
TGCAGATCGACTCCATTTTTGCAAAACCTTCTTTGACGTTGAGCCTCGCCGTATTTGGATCCCCACACACTTTGG  
GGGCCATAATATTGAGAGAGTTCTGAAGAGGTTTGAAGCAACATAATCTTCTTCAATGGCTTGAGAGATCCT  
TGGAGTGGTGGAGGGGTGCTCAAAAACATATCCTCAACTATAATAGCTATTGTGGCAAAGGAAGGAGCTCAT  
CATGTAGACTTGAGATTCTCAAGTGCTGAAGATCCAAATGGTTGAAAGATGTGAGACAGCAGGAGCTGAGT  
ATTATTGAGGATTGGCTTTCCCAATATTACTTGGACTTGGCCCAATATTGATATCTTATCCTGCCACATGTTTA  
TATATAGAAGGCCCAAACACGAAGCCCACTCAAATGATGGAGGAAATACGCTTTTCTACTTCATTGTTTTTCAA  
AATAATAAATCAAAGCCATTCAGGTAAAGATTCCAAATGTTTATTGAATACTTCCATGTTTTAAATGTTTTCTAA  
ATAAGGAGATGCTAGCCAAATAAATTTAGCTCCACGCTATNAAATTTATATGAACTTTCATCTT

>trans\_c\_103 NM\_001067317|Oryza sativa Japonica Group Os08g0104900 (Os08g0104900)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTCTTTTTTCTGTTTTTTGAGGATTTCAATTTCAATGAATTAGAGAGAGAATTTCAAGTACGATC  
CTCGGCAGAGATGCATGCCTTCTGCGTTTTTCTACCCCAAATTCATCCGTTTCATATACTCTAACTTCTTCTCGC  
TAAACCATTTTCATCACCTCTCAACTACGCTGAATTGGACCCTTCCTTCTCTCTTTTCCATTTCCAAATTCAGG  
TTCTATTGGGATTTTGCAGTTTCTCATTTCTGATCTGGGGTCTTACACTAGAGAGATGGAGGAAGCTCGGTT  
GTGCCAGTGGACTACCATTAGATCTCTCTTGAATTTCTTCAATGGTAGGGTTTCAATGTCACCGTCATTATCAT  
GAACAAGTGGATCTTTCAGAAATTGGACTTTAAATTCCTTTAACAGTGTCTTGTATTCACTTCATCTGCTCTGC  
CATTGGAGCGTATATGGCGATTAAAGTGTTGAAAGTTAAACCACTTATTTCTGTTGACCCTGAAGATCGGTGG  
AGAAGGATATTCCCGATGTCATTTGTGTTTTGTATTAACATAGTTTTGGGGAATGTCAGCTTGCGTTATATTCC  
GGTTTCTTTATGCAGACAATAAAGTCTTTACCCCTGCAACAACAGTTGTTTTACAATGGCTTGATGGAGAA  
AGTACTTTGACTGGAGAATATGGGCATCTTTAATACCCATTGTTGGAGGAATTCCTCCTACTTCTGTGACTGAA  
ATGAGCTTTAACATGCTTGGGGTTTGTGCTGCCTTATTTGGTTGTTTGGCTACCTCCACAAAGACCATCCTTGCC  
GAATCCTTATTGCATGGATACAAGTTCGATAGCATAAATACAGTCTGTTACATGGCACCTTTTCGCGACGATAAT  
CTTGATGTACCTGCTATGCTCCTGAACGCAACGGGGTTCTTGATTGGCTTCACACGCACCAATCTATTAGCT  
CGTCACTCATCATATTTTCAAGTCTGGGGTTATGGCCTTCTGTCTTAACTTCTCCATATTTTATGTAATTCATTC  
CACCCTGCCGTCACATTCAATGTTGCTGGAAACCTTAAGGTAGCTGTTGCAGTCCTTGTTTCATGGTTGATTTT  
CCGAAACCCAATTTCAATGCTAAATGCAGTTGGATGTGCGATTACACTTTTGGGTTGTACATTCTACGGGTATG  
TAAGACATCTTATCTCACAGCAGCCACCTGGAACCCCTCGAACTCCAAGAACACCTCGGACACCTCGGAGTCG  
AATGGAGCTGCTCCCCCTTGTAATGACAAATTAGATGATAAGATCTAATTGGCTGCATTGCGGTTGATGTTCT  
TGGTAGTTGGCACACCAATAGTAGAGAAAGGAGAGTACAAAAGATGAAAAGAATACAAAAGCAGAATACTT  
GGGCTTGTTCTGTTCTGTTCACTTGCTCTAGGCGACTTCAATTTTTTTTCTTCATAATGCTATCTTTTTATCTCCCC  
GCCACATATTTTGTGTTTGCAGCTTTAGCATATCAAAAAGCGACTGATATTACCTTTTATTATTAGTTAAATC  
ATGCCTCTGATTAAGAGGCAATTATATTAGAGTTCCAATCATTTTTCTTCTTAATCTTGCTTTCTCTATTCAAAT  
CTAAACCAAAACAGAAAAATTTCAAGGTTTCTGACGTGGCTTTGCTTGAAACAATCTTGGTTCCAAATTCA  
TCTGAATGGATCAATTATTATATCCTATTGGAATGAAAGATATGAATTTCTGAT

>trans\_c\_104 EU330204|Dimocarpus longan iron-superoxide dismutase mRNA, complete cds

CGGCACAGAGTAAGACTAACTAAGACACGAGCAAAACGGATATGGCGGCATCTATCGCTTTGCCACCTTCCAC  
TAAACTACACCAAAATCATTTTCACCATTCAAGCTTCCGCGGTAGCCCACTGCCACCTTCTGCCTTTCCCTGTAG  
CTCGATCAAACAGAAACAACATGGTTCAAAGACTTATCTCACGAAAAATCAGTGCGAAGTTTGAAGTGAAGCCT  
CCCCCATATCCTCTGGATGCTTTGGAACCACATATGAGTCGTTCAACCCTTGAGTATCATTGGGGAAAAACATCA  
CAGAGCTTATGTGGACAACCTTAACCGACAGATAGAGGGAACTGAGCTGGAGGAATTATCACTAGAAGATAT  
CATAACTAAAACATACAAAAAAGGCAATATCCTTCAGCAATTCAACAATGCAGCGCAGATCTGGAACCACGAT  
TTTCTCTGGGAGTCCATGAAACCTGGGGGAGGAGGGAAGCCAACAGGGGAACTCCTAGAACTAATTGAAAG  
AGACTTCGGTTCTTTTGAAGTTTTTAGAAGAATTCAAGTCTGCTGCTGCAACGCAGTTTGGTTCTGGTTGGG  
CTTGGCTTGCATATAAGGACAACACGGTTGACCATCCACGTCCATCAGAGAAGGACAAAAAACTCGTTATTCT  
AAAGAGTCCTAATGCCGTTAACCCACTCGTTTGGGACTATGCTCCACTTCTTACAATCGACGTCTGGGAGCATG  
CTTATTACTTAGACTTCCAGAATCGGCGACCTGATTATATATCAACTTTTGTTCAAACCTCATATCATGGGAAG  
CAGCAGACTTGAGGCTGCAGAAAGCCAAGGCTGAAGCTGCTGAAAGAGTTAAGAAAAAAGAAAGAAAAAG  
GAGAAGAAAAAGAACGAAGGTAGCGACGAAGAGGTCTACGTCGACAACAGTTCAAGCGAGTCGGATTCCGA  
TTCTGACTAAAATTTGCTTCTCTCTCTCTGGGTTACGGTGTTTATAAAGGTGCATACCATATTTTATTTCTATGC  
TCCGCCGAGTCTTGTTGTTTGTGCTGTGATCAGTTAGTAGACTTTTGTGCTATTGGCTGTAAAGTGAGCATGA  
AGTGTGTAATTTTGTAGTTTGAGAGAATGCATTATTGTAATAGAACTACCAGAACATAGGGACTTTTACTTCCA  
CTTTATGCATATAGAATGTTATGGTCCTTTTGGGAATAAGTATTGAATAATTAAATTATGTTTTAGCGTTTAGA  
TTAGATTTCCATGTGTTATATTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTTTAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCC  
GCCCCCCCATCCCCCCAAAGGGGGGTTATAAACCCCCCCCCCGGGCCCCTTTTTAAACCCCCGGGGGGGGG  
AAAAACCCGGGGTTTCCCCATTTAATCCCCTTGAAAACCCCCCCTTTTCCCGGGGGGAAAAAAAAAAAAA  
AACCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCAATTTCCCCCCCCAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTTTAGGCCCCCT  
TTTAAGCGGGGGGGGGGGGGGTTTACCCACAGGGGGCCCCCTTTTTTGGCGCCCCCTAGCCCCCCTCTTT  
TTTTTTTT

>trans\_c\_105 Novel Gene

TGAGACATATTTTGTGATATCCCTGCTGAAGCATACAAGACCTTGACTTCTTTGAAGGGCGTCACTGCCTATG  
GATTTGATTTGGTTCTGTGAACTAAGACACTTGATTTAATCAAGGGTGATTTCCCAAGGGAAAGTTCCTCTTT  
GCTGGAGTAGTTGATGGAAGGAATATTTGGGCAAACGATCTTGCTGCCTCAGTCAGTGATTGGAGGAACTA  
GCTGGCGTTGTGGGCAAAGACCATCTTGTTGTTCTCCACCTCCTGCTCACTTCTCCACACTGCTGTTGACCTGT  
CAACGAACTAAGTTGGATAACGAAATTAATCATGGCTTGCTTTTGTGCTCAAAAAGATTATTGAGGTCAAT  
GCATTGGCAAAGGCTTTGGCTGGTAACAAGGACGAGGTATTTTTGTCTTAATGCCGGAGCTCATGCTTCAA  
GGAAGTCGTCTCCAGGGTGACCAATGAGGCTGTTTCAAGAAAGCGGCTGCTGCTTTGAAGGGTCCGATCATC  
GCCGTGCTACGAATGTTAGTGCAAGACTTGATGCTCAACAGAAGAACTTAACCTTCCAGTCCTTCCCACCACC  
ACCATTTGATCCTTCCCTCAAACCTGTTGAACTCAGGAGGGTTCGCCGTGAATATAAAGCAAACAAGATCTCTG  
AGGATGAATACGTTAAGGCTATTAAGGAGGAAATTAACAAGGTTGTCGAGCTCCAGGAAGAGCTTGATATTG  
ATGTCTTGTTTCATGGAGAGCCCCGAGAGGAACGATATGGTTGAATACTTCGGTGAGCAGTTGTCAGGTTTTGC  
CTTCACTGTTAATGTTTGGGTGCAATCATACGGATCACGTTGCGTGAAGCCTCAATTATCTATGGTGATGTGA  
GCCGCCCAAAGCCCATGACTGTCTTCTGGTCAACCACAGCTCAGAGCATGACATCCCGCCCGATGAAGGGAAT  
GCTTACTGGCCCTGTCACCATTTCTCAACTGGTCCTTTGTTAGAGTCGACCAGCCAAGGTTTGAAGCTTGTACC  
AGATTGCTTTGGCCATCAAGGACGAGGTTGAGGATCTCGAGAAGGCTGGAATTAATGTTATCCAGATCGACG  
AGGCTGCTTTGAGAGAAGGGTTGCCTCTTAGGAAGTCTGAGCAAGCCTTCTACTTGGATTGGGCTGTTCACTC  
TTTCCGTATCAGAACGTTGGCGTCCAAGACACAACCTCAGATCCACACCCACATGTGCTACTCCAACCTCAACG  
ACATCATCCAATCCATCATCGATATGGATGCCGATGTGATCACAATTGAGAACTCTCGCTCCGACGAGAAGCT

CTGTGTCAGTCTTCCGCGAGGGAGTGAAGTACGGTGCTGGAATCGGACCAGGTGTGTACGACATTCACTCTCCA  
AGAATACCATCAACTGAAGAGATTGCAGACCGCATCAACAAGATGCTTGCAGTGTTGGAGACAAACATCTTGT  
GGGTGAATCCTGACTGTGGACTCAAACTCGCAAGTACGCCGAGGTGAACCCAGCCCTGAAAAACATGGTGG  
CGGCTGCAAAGCTTCTCCGAAAAGAGCTTGGGAGTGCTAAGTGAGTTTGAGTTCTTGTTGGAGGTTGTTGAGT  
GAGTATCCAACCGGTCCCTTGAAAAAAAAGGAAAGAGATGAGTTTGTGTTTGTGTTGTCTAAATAACTGAGTT  
GCGAAATGTTTAGTAGTGTGTAGGTGTGCTCTTGGGAGCAATTCTTNGCTTCGATATTCTCTCTATATCTGT  
TTTT

>trans\_c\_106 NM\_117987|Arabidopsis thaliana BIN2 (BRASSINOSTEROID-INSENSITIVE 2);  
glycogen synthase kinase 3/ kinase/ protein kinase (BIN2) mRNA, complete cds

TAGAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAATAGAGAGTGCTGGAATCACATGGCCTTGTTTTCTGTACCTCTCC  
CTTTCTTCTTCTTCTTCCATTACTGCAATCCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTA  
GTTGCCAACTCAACCAACTTCTCGCTTCTTTCTTCTTCTTCTTCTGATTCCGGCCATGGCGGACGATAAGGA  
AATGTCAGGCCCTGTCATTGATGGAAATGATCCGGTACTGGTCACATAATATCCACGACTATTGGAGGCAAG  
AATGGGGAGCCCAAACAGACCATAAGCTACATGGCAGAACGTGTTGTTGGGACTGGATCATTTGGTATTGTTT  
TCAAGGCCAAATGCTTGGAGACTGGTGAAAATGTGGCTATAAAGAAGGTTTTGCAGGACAGAAGATACAAGA  
ATCGTGAATCCAGTTAATGCGTGTGATGGATCATCAAATGTCATTTCTTTAAAGCATTGTTTCTTTTCCACTA  
CTACAAAAGACGAACTTTTTCTCAACTTGGTAATGGAATATGTCCCCGAAACCATGTTTCGGGTTTTGAAGCAT  
TACAGTAATGCAAATCAAAGAATGCCAATCATCTATGTCAAATTATACATGTACCAGGTTTTTAGGGGCCTGGC  
CTATATCCACACAGTTCCTGGAGTTTGCCACAGAGATTTGAAGCCTCAAATATTTTGGTGGATCCTCTTACTC  
ACCAAGTTAAATATGCGACTTTGGAAGTGCAAAAATGCTTATGAAAGGTGAAGCCAATGTTTCATACATATG  
TTCACGCTTCTATAGAGCACCAGAACTCATCTTTGGAGCTACAGAATACACAACCTCAATCGACATCTGGTCTG  
CTGGCTGTGTCTTGCAGAGCTACTTTTGGGACAGCCACTGTTTCCCGGAGAGAATGCAGTTGACCAGCTTGT  
AGAGATTATTAAGGTTCTTGGCACACCAACTCGTGAAGAAATTCGATGCATGAATCCAAGTTATACAGACTAT  
AGGTTTCCACAGATAAAAGCTCACCCATGGCACAAGGTTTTCCACAAGCGGATGCCTCCTGAGGCAATAGATC  
TGGCTTCCCGATTGCTTCAGTATTCACCTAGTCTACGCTGCACAGCACTGGAAGCTTGCACACATCCTTTCTTG  
ATGAACTTCGAGAACCCAATGCTCGTCTCCCAATGGTGCAGCATTCCACCTCTCTTAACTTCAAACAAGAG  
CTGTGAGGGGCTCTCCGGAGCTTGTTAACAAGTTGATACCTGATCAAGTGAAGCGACAAATGGGTCTTAATT  
TGCATCTAGCCGTTTCGTAAATATAGGCATATGTGCGGTTGGGTTCTTCTTGTTCATGCGTGGTGCAAAGCCTA  
CTGACCAGCTTTAAGTTCCAACCTCCACCTGTATTAAGTGGGGCTGTTTACATCGCTCTACTCTGAGACTTGCA  
GGTCGAGGGACCATATATCGACTCTTCTCGACGTGTTGTCTTCTCGATCTATCTATCCACCCATATTCAACCC  
ATCCCTCAATCTCAGATAATACCTCAACTTGTTGTATATGTTTGATAGTATATTGAAGAAAGCCAGAGTTTGAC  
TTAGCAGAAACCTGCTAGAAGAGGGATAGTAGTAGGGCAAATGTGCATCTTAGTTAGGAAGAGGGGAACCT  
AATTTTATTATATGTGGCCGAGGGAAAAAAATTGGATCTAGTTGTTTAGTTTCGTTG

>trans\_c\_107 DQ300358|Ricinus communis ACS2 mRNA, complete cds

ACGTTACGTCTTCTTCTACTGATTTGTTTTCTTGCTCATCATACGGATCACAACCTCTGTTTGTGGATAATCGAA  
CGATTAATTTTTCTTTTCAAAATAATCAGAAAGCTATTATCCGAATCGCTGTTGCCGTCATTGTACCGTCACCTA  
CCTAAAGATGCGTGCCTGTTTCAATATCTATCCGTGATCGGCTAGATTGTAGTGCGGATTGAAATCTTTGCG  
TGCTTATGGATTCTCCAGCGGCTCGACGTGCGATACAAGCCATTACAGGATCATCTGTTCCCGCCGCGCAATTC  
TCTTCTTCTCAGCTCCGGCTTAATGCAACTGCTGGCGAGTTTTTTAGCGGGGATGGCTACAGCGTTGTGCTTCC  
AGAGAAATTGCAGACTGGAAAATGGAATGTATATAGATCTGCTCGCTCTCCTTTGAAGCTTGTGGATAGATTT  
CCAGATCATCCGGAATTTGGTACATTGCACGATAACTTTACGCGCTCAGCTGATGTATATAGAGACTATAAAT  
ATCTAGGTACCCGAATCCGATGTGATGGAACAGTTGGAGAGTACAAATGGATGACATATGGAGAAGCAAGTA

CTGCTCGGACAGCATTAGGTTCTGGTCTAGTATTTGAAGGCTATGGAATGACAGAACTTCTTGTTATAAG  
TGCCATGGATCCAGACGACACCCCTTTGTGGTCATGTTGGGGCTCCTAATCCGGCTTGTGAAATAAACTTGTG  
GATGTTCTGAAATGAATTACACATCCGATGATCAGCCTTATTCTCGTGGTGAGATCTGTGTCAGGGGTCCCCT  
TGTTTTCAAGGGCTATTTCAAAGATGAAGTGCAGACGAGGGAAGCTGTTGATGAAGATGGCTGGCTTCATAC  
AGGAGACATTGGATTATGGTTGCCGGGTGGTCGTTTAAAGATTATTGACAGGAAGAAGAACATCTTTAAGTT  
GGCACAGGGAGAGTACATTGCACCAGAGAAAATTGAAAACGTGTATGCGAAGTGCAAGTTTGTGCCCCAATG  
CTTTGTTTACGGTGATAGCTTTAATGCATCTCTGGTAGCTGTAGTCTCAGTTGATCTGGATACGTTGAAAGCAT  
GGGCTTCTTTCCGAAGGCATTAAGTATAATGATTTAGCCCAACTCTGCACTGACCCAAGAGCACGGGCGCTG  
TATTGGCGGAGATGGATGCCGTTGGAAGAGAGGCACAGTTGAGAGGTTTTGAATTTGCAAAAGCTGTCACTT  
TGGTCCATGAGCCTTTCACTTTGGAGAATGGTCTTCTCACTCCTACATTTAAGATCAAGAGACCCCAAGCCAAG  
GAATACTTTGCAATGCCATATCCAATATGTATGCCGAGCTTGCTTCATCAGATTCATCCTCCCAGAAAATGTA  
GCAAACTGGAAAACTGTTAGTCTTTCTTCATTCTTTCTTCTTCTTGAaaaaATTATAGCAAAGTTGAATCTCT  
TAAGATCTCGAAAACAAAAAACACGAGCCCCCTTGAATCGATCTATGAGATCGGAGCATGAACACTCCTGTTT  
GTTACATGGTGCTCTTCTTGCTGTACCATAACATCAGTGTTGAGCCACTGACATCTCCAAGAACATACCATTG  
CTAAGTTATCCGATTGATTGGCCAAGAAAGAGGACGATGGAAATCAAATCATTATTATTTACATACTGGAAT  
AATTTATGATATTCATCTAATTGAATAAATTTGGTTACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_108 NM\_001059952|Oryza sativa Japonica Group Os04g0534500 (Os04g0534500)  
mRNA, complete cds

ATCTAAACGTATTTGTAAAAATCTCGGTTTGATATTCTCTCGATTACTGTTGCCGATTCTTGAGGCACTTGCCC  
TAACACCTACCACTCGTTCAATCGGGTAACAATTCTATTTCTTCCCAATTGATCGGTGGATTACACTATATTT  
CAATTGCTCGACCGCCCCAAAAGCAACCAGCTGATTATAATTCTTCTAACTGTTCCGATTCCATTTCTCAGCTGG  
GTTTCGCTGTTAAGACTTTTTAGATAATGGAAGCATAGTTGGTATCGACAGTTTGTTGGACTAACTATGAATCA  
AGCTGTGGTATCAGCATCATATCCTACATATATTACCATACCCCACTACCACCATAAAAACTTCAAGACATCCAA  
GTCCTCAAAGGTGCTCAATGCATCAACTCTCCATTGCGGTTTTATGCATTCTAGACATCCTCCAATTTGTTGCAC  
ACAGACAAATCCTTGGAACCTGCACCTGTCACATTTGCTCACAACAATAAAGAGGATGAGACCTTCTTGAAG  
AAAACCGACAATATTTTTGAAAGTCTAAATGCTGATAGAACAACCTGAAGTTTCGGAAGTAGAGACTAAAGAAC  
TTGTGGAGGCAAGTAATCAACCAGAGTTGGTGCATTTGCAGATTTTCAAATGGCCAATGTGGCTTTTGGGGCC  
TTCTCTTCTCTTAACAACAGGGATGGCCCCAACATTGTGGCTTCCTATGTCATCTGTATTTCTCGGTCCCAATGT  
AGCCAGCCTCCTCTCTTTGATTGGACTTGACTGCATCTATAACCTTGGTGCTATGCTTTTTCTTCTCATGGCTGA  
TGCTTGTGCACGGCCTAAAGAACCAATAAAACCCATGAGCAGTGAGGCTCCTTTCAGTTACCAATTCTGGAAC  
ATACTTGCTAATGTGGTTGGATTTATGATCCCTTTAGTGATGTTTTATGGATCTGAAAGTGGGTTGGTTCAACC  
CCATCTGCCTTTTCATCCCCTTAGCAGTTCTATTGGGTCCCTATATTCTGCTCCTTTCAGTACAGATTTTGACCGAA  
ATGCTGATATGGCATTGGCGATCCCCTGTGTGGCTGGTTACTCCAATTGTATACGAAGGTTATCGAGTTTTGCA  
GCTGATGAGAGGGTTGAAACTTGGGGCTGAGCTCAGTGCACCGGCCTGGATGATGCACACAATGAGAGGAT  
TGTTTTGCTGGTGGTGCTCATACTTGGTATTGAGCTCATGAGAGTAGCTTGGTTTGCGGGTATAGCTGCCTC  
CCTATCTCATAAGCAGGAAATTGTCACTAATGGTTCGTGATACCGCAATCTATCACATAAAGGTGAGTTTAGG  
ATGACTTTTGAGAAAAGAAAAAAATGTTTTTAAGCAAACACACTACTTCTAGAAGAAGCACGACCAAGTG  
CTTTACTTAATACTAAACCAAGTCTAGTGTTCTTAAACTCCAATGATTCCATACCTATCCTTAATAAA  
TAGGATATACTTCTATTTTGATATGAGATTTGTACAGAATTAAAGGTCTTAAAGACGTGCCGCAAAGAAGTTTA  
GAAATAGGCATAGTACTATACGAAAACCTAGGGAGACATAGTTGTTGTATATGTTGCCTGTTCTTATTACTCACA  
GAATTAGTAGTTTATGAAAGATTGTAATATATAAAAGAACATAATTTTTGTTGTTGTTAGTTTGATATAAA  
TGAATCACAAAATTAATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_109 AB190774|Mesembryanthemum crystallinum PTL2 mRNA for plastidic phosphate translocator-like protein2, complete cds

ACCCATTTCTCCAATTTCTCCAATTTCTCCAATTTCCCCCTTTCTCTTTCTCTTTCAACTCTCTCCCCATTTCCCCT  
GTTTCAATTTCTTGCCCTCCATGGAGTTCTGTTCTCAGATCCATGGAAACCTCACCTTCATTCTTTGTAATGTG  
TCTCTTCTCGTTTCATTTTTGTAGATTTGACTTTCAGATCCATGTTCTAGTGTACCAAATCGGAGCTTCAACCT  
AAGCCTTTCAGAAATCGCCGCCCCACGATCCAGACCGACAGCCGAAATGAAGGGTTCGAGTCGTTTCTTCACG  
ATCGGGCTAGTAACTTCGTGGTACTCCTCCAACATTGGTGTCTTTGTTGAACAAGTATTTGCTGAGCAACTA  
TGGGTTC AAGTACCCGATCTTCTTGACCATGTGCCACATGACGGCTTGCTCTTTGCTTAGCTATGTTGCGATTG  
CTTGTTGAAGATGGTTCGATGCAGACGATTGCATCTCGGATCCAATTTTTGAAGATTGCTGCTCTTAGCTTT  
GTCTTCTGTATTTCTGTTGTCTTTGGTAACATTTCTTCTAGGTATTTGCCGGTTTCCTTCAACCAAGCTGTTGGG  
GCCACCACGCCTTTCTTACGGCGGTTTTGCTTACCTTATGACGATGAAGAGGGAAGCTTGGCTCACTTACGT  
TACTCTCATCCCTGTTGTTACTGGGGTCATTATTGCTAGTGGGGGTGAACCGAGTTTCCATCTGTTTGGATTTAT  
AATATGTGTTGCAGCTACAGCCGCAAGGGCACTCAAATCAGTACTGCAAGGAATTTTGTCTCTTCTGAAGGA  
GAGAAGCTGAATCCATGAATCTTCTTGTACATGGCTCCTATAGCCGTTGTCTTCTGCTGCCTGCCGCACTA  
TTTATGGAAGAAAACGTGGTGGTATCACTCTGGCTCTTGCTCGAGATGATAAAAAGATCATCTGGTATCTGCT  
ATTCAACTCTTCACTTGCCTATTTGTAACTTGACCACTTTTTGGTTACCAAGCACACCAGTGCATTGACACT  
TCAGGTGCTCGGAAACGCAAAGGGTGCTGTTGCGGTGGTGATTTC AATTTTGATTTTCAGAAATCCAGTCTCT  
GTCACTGGAATGCTTGGTTATGCCCTCACAGTTATGGGAGTCATCCTCTATAGTGAATCAAAGAAAAGAAGCA  
AATGAGAACAATGCAACTGAGGTGCACCTTCTTCTATAGTTTTCTTTTTTGCACGGTGGCAGCAGTCGTCGA  
GTACCAGAGGCAGCAGCATGTGTAGATCGACCATTGACTATAGCCTCCAAATTCTTCTCCCTCCCCACTGAAA  
AGCTTATTAGCTTAGGCATTGGTTTATTTGTATCATCCTCCCAAGATCTGTCACAAAATAGAAAATTTAATAA  
GGAAGAATTATGGGGTAAAGTTTTACTTCTTTAGAAAAGGATTAATAGAATTGTTTATTTATATAAAAGTCGACT  
GTTATTGTCACTCCTTGATCAATTAAGGGGGGAAAAACAACCTTATCTTTTACCATTTTGGTACATTATTTTGT  
AATTCCAAGTTATACTGAACTTTATTTGAGAGTCATTTGTTTGTGTACACTGGAAAAAAGAAACAAATCTA  
CTTGTCATTTCTCCTTCATGGTCAGAGGATTTGAGAATCCCGACTCCAAAATATTATCTGAATGAAGATTCTTA  
CAAAATATTCCAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_110 AY345608|Gossypium hirsutum beta-tubulin 6 mRNA, complete cds

GTCGATCCATTTTCATCGATACACAGAACAAGGACAACAACAAGAGCCTTCTCTTTCTTTCCATTTCTTACA  
ACAAGACACCATGAGAGAAATTTTCACGTTCAAGGTGGCCAATGCGGCAACCAAATCGGATCCAAGTTCTG  
GGAAGTCATTTGCGATGAGCACGGTATCGACGCCACCGGTAAGTACAACGGCGATCCTTCTTCTGATCTTCAA  
TTGGAGAGGATCAATGTCTATTACAATGAGGCTTCTGGCGGTAGATACGTTCCAGGGCTGTTCTCATGGATC  
TTGAACCTGGTACCATGGATAGTATCAGATCCGGTCCCTACGGTCAGATCTTTCGCCCTGATAATTTGTTTTT  
GGTCAGTCCGGCGCCGAAATAATTGGGCGAAAGGTCATTATACCGAAGGAGCTGAGTTGATTGATTCCGTT  
CTTGACGTTGTTGTAAGGAGGCTGAGAATTGTGATTGCTTGCAAGGTTTTAGGTTTGTCACTCCCTTGAG  
GAGGCACTGGTTCTGGGATGGGAACCCTGTTGATATCGAAGATTAGAGAGGAATATCCAGATAGGATGATGC  
TACTAAGAGCCAATTCCTTCTCCCAAGGTCTCAGACACGGTTGTGGAACCATATAATGCCACTCTTTCAGTC  
CACCAATTGGTTGAGAATGCAGATGAATGCATGGTCTTGATAATGAAGCTCTTATGACATTTGCTTCAGGAC  
CTTAAAGCTCAGCACTCCTAGCTTTGGTGACTTGAACATTTAATCTCTGCAACCATGAGCGGAGTAACATGTT  
GCTTAAGATTCCCAGGTCAACTGAACTCAGACTTGAGAAAATTGGCATTGAATCTAATTCCATTCCCTCGTCTT  
CACTTCTTCATGGTTGGATTGCTCCACTAACCTCCCGCGTTCCAGCAGTACATCTCCCTCACTGTCCAGAA  
CTAACCAACAAATGTGGGACGCAAAGAATATGATGTGTGCTGCCGACCCACGCCACGGCCGTTATCTAACCG  
CCTCGGCCATGTTTCAGAGGAAGAATGAGCACGAAAGAAGTAGACGAACAGATGATCAATGTACAAAACAA  
AACTCATCCTACTTCGTTGAATGGATCCCAACAACGTGAAATCAAGCGTTTGTGACATACCTCCAAAGGGGC

TGAAGATGGCATCAACATTCGTGGGAAACTCGACCTCGATTCAAGAGATGTTTAGAAGAGTGAGTGAGCAGT  
TCACGGCGATGTTTAGGCGCAAAGCTTTTCTGCATTGGTACACAGGGGAAGGAATGGATGAAATGGAGTTTA  
CGGAAGCAGAGAGTAATATGAATGATTGGTGGCTGAGTATCAACAATATCAAGATGCTACGGTTGATGATG  
ATGCTGATTTTGATGGTGGTGATCACGATGACGAATATGTGACCCAGTAAAAAATGGTTTTTACTATTATCTCT  
GCCTCTTTTACTGCTTCGTGAAATATTATTCTTCTGGGTTTGATAATGCCTGCGTGATTGATTGTTATTTC  
TCTTCATTTTGGTTCCAGTTGAATTCCTGTGTTTATTTATTGGATTCTTGCTTGTTTTTTTTCTTTTCTT  
TTTAATTTCTCCATCTTATTTGTTGGGTATTATTAGTAGTTGTGTTTGTCTTTCTATTTAATAAGATAATGTCA  
ATGTGCAGTCTATATTTTATTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_111 XM\_002894519|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata LEM3 (ligand-effect modulator 3)  
family protein, mRNA

AAAGCTTTTACACACCCAAAAGGAAATCCAGTTATTATGAGTTCGAATACCGCGTCTAGCTCGAACGATGCAT  
CATCTAATAGAAGGAATTCGAAACGACCCAAATATTTCGAGGTTTACCCAGCAGGAGCTTCAGCGTGTAACCC  
TATTCTCACACCAAGATGGGTGATTCCGCATTTCATGTTAGTTAGCATTATCTTTGTTCCATTGGAGTTGCTTC  
CTTGTTTGCTTCAGAGATGTTGTTGAAATAATCGATCGCTATGAAACTGAGTGTATACCAGAAAGGTTTAGA  
AACGATAAGGTCGGATTTCATTAGGGCACTGCAATAAAATTTGCCGCAGAAACATCACTGTGCCAAAACGTA  
TGAAGCAACCAATATATGTCTATTACCAGCTTGACAATTTCTATCAGAATCACCGCAGATACGTGCAGAGCCGT  
AGTGATAAGCAATTGAGAGATCCTGGCAGCGAGCGTGATACAAGCTCTTGCAAACCTGAAGACAACCTGGAAT  
GGGCAGCCAGTTGTTCCATGTGGTTTGATAGCATGGAGTTTGTTAATGATACCTACAACCTCACCCCTAATAA  
AAAGCAAGTCGCTGTTAATAAGGTCCGTATCTCATGGAAGAGTGACAGGGAACACAAATTCGGCAAGAATGT  
ATTTCCCAAGAACTTCAGAAAGGCAATTTTACAGGAGGCAATCCCTTAATGAAAAAGTGCCATTGAGTCAA  
CAAGAGGACCTTATTGTGTGGATGCGAACGGCTGCTCTCCACGTTTCAGAAAGTTATATGGAAAGACAGAG  
GTCGACCTTGAGAAAAATGATGTAATTGATGTGGTTTTGGAGAACAATTACAACACTTACAGTTTAAATGGCA  
AGAAAAAGCTTGCTTTCTACAACCTAGCTGGCTTGGTGGGAAGAATGACTTTCTTGGCATTGCTTATCTTACT  
GTTGGTGGGTTATGCTTCTTTTGGCAATGGCTTTCACAGTCGTCTATCTTGTTAAGCCAAGGCGACTTGGGGA  
CCCATCATACCTGTCATGGAATAGAAACCCTAGTGGGCACTGAAGCAGGAGCTGCTAGAACACGGTTTGTTGT  
AATTTTATTTGTAATATTATTTTATGATGTGATCATATAAAAAACAAAGGAAAGAGCAGGATGTTGGACAGATT  
GTTGTAATGAACTTCTGTTTTCTTTTATATGAAATGTGGTGGTGTGAGTATCAGATTATAGTGTAACCTCAA  
TGCAGTATCTCATTATGTTAATAGTTTGTCCCTTCTAAATCTGATCAATAACTACTTTTACAACCTGCAATAAGT  
TGGGGGCAGAGAGCTCTAAAGTTCATAGCACTCGTAGAAGAATGTTTGAAAGATAAGCACCTCTGGGTAAC  
TAGGGTCGATTGGGTGATCACATGCTGCTCCTGCTGGTCGTAGAACCGTAATCTTCTTTTGGCCATTGATGCT  
GCACCTGTTTAAAAGAAGGAACAAGTACAAACCAGTTTAGTTTCCTTTAAACATGCTGAATATATTCTATTGG  
AACTGTTGTTTTCTTTCTCAGTGATCTGAATGATATTATCCTAAATGACTCATAGTTGCAAACCTACAATCTTG  
TATTGCTTGACGTATTGTTTTAAGTCAAGATGATGGGAAGAACTATAAAATAACCCAGTAATAATGTGGAAC  
TAGACTTGCCTGAAGTATTTGCAAGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_112 NM\_001055991|Oryza sativa Japonica Group Os03g0230300 (Os03g0230300)  
mRNA, complete cds

ATTCTACTGGTTCTTTTGAAGCAAATTTAGCGCCGGCTTTTCGATCCCAGAAGCTAGTAGAATCCATGGCCTCC  
AAGTTACTCATGCATGAACAATTGAGGAAGAAGATGTTGGGATCAATTGAAGTTCGATCTCCTCTCGGAAACC  
CTACTAATTCTTCTCTCCGATTCTCCCTCTCTGCTTCACAACCTCAATTTCAAGAAGAGTGTTTACC  
TTCACGTTTTATGTTCTATTTCCGTAGTTCATGGGTTGATTCCCTACCCAAGTGCTTGAAATCTTGCGAACGGC  
TTTCTCCGACCGGAATCCAGCGGTGGAGTTGCAAAATTGATGGATCGAAGTACTTATTTGATTTGTACAGGATG  
TTGCAGATTGATTTAGACACTGGTAGACAGAGATCGGTTTCTTGGATCGATGATAAGGGTAACCTGTTTCTTCCC

>trans\_c\_113 AB359916|*Solanum lycopersicum* LeGABA-TP1 mRNA for gamma aminobutyrate transaminase isoform1, complete cds

[illegible]

>trans\_c\_114 AF170086|Cucurbita pepo silverleaf whitefly-induced protein 1 (SLW1) mRNA,  
complete cds

AAAAGAAAGAAAAAGTTCGAACCTTTCCTGTTTCGCCATTGTTCTTCCCTCTTCAGATTAGAGTTCACAATCTC  
CTTCTTGATTGAGTTTCTTATACGTAAAACAGTTTCCTTGTTGTACCACATCAATGGGTTCCGTGAAAGAAATTA  
TTGGTGAAGTGAACAAAGAATCCTTCGTCTCTTTACTCTCCAAGCTCATCGGCGAGGCCAGTTCGTCCAAAAC  
AACCCAAAAGAAAACCTGATTCTCAAGAAGATAAGATCGTTAATCACGTCCTTGATGTTCTTAACCCTTACAG  
TACTGCCAATGGCGGACCCTTGCTAATCAACCATGTTAGCTACGCTCCTGGCCGTGGAAATTTGATTGTGGAG  
TATCCTGGGACTGTATCTGGAAAAGTAGTCTCCTTTGTTGGTAGCCATATGGATGTTGTCCCTGCCAATCCCGA  
TACTTGGAATTTTCTCCATTCTCATTGAGTGTGATGGGGATCAACTTCGGGGTCTGTTGGGACAAGTATTGCT  
TAGGACATGTTGCCCTTCTAACTGAACTTCTCAAGAAGCTTGACAAAATAAACTAAAGTTGAAGTCCTCCGT  
GTCATTGTATTTATTGCATCTGAAGAGGACAATTCTATCCAGGAATTGGAGCTGAACAACTTGCTAAAGAGG  
GATACTTTGCTAATTTAAAGGAGGGCCACTATTTGGATTGATACAGCAGATTACAGCCTTGATTGGTACT  
GGCGGTTCAATACCTTGAACTTGTGGCAACTGGAAAACCTTTCCACAGTGGTTTGGCACACCAGGCTATTA  
ATGCTATGGAGCTTGCTATGGAAGCTCTTAAAGTGATTCAATTACGCTTTTATGAAGATTTCTCCCATACTA  
TGGAACAGGCATATGGATTTGCATCACCATCAACCATGAAACCAACCAATGGATTTATCCAGGAGGTGGTCT  
CAATCAAATTCAGGAGAATGCACTATTTAGGAGATGTCAGGTTAACCCCTTCTACGCTGTGAAGGATGTT  
ATGAAAAAACTCCAAGGCTATGTTGATTACATTAATGCAACATTGAGAACTTGATACGAGGGGTCTGTTT  
CAAAGTATCTCTTACCAAATGAAGGCATCAGGGGAAGAATTGATATAACTTTCGGTGAGCCGATGTCGGGAG  
TTGCATGCGATCTTAATTCTCGTGGCTATAAAGTTTTACACAATGCAACGAAGGAAGTTATAGGGCACGTCAA  
ACCTTACTCACTACAGGGAGTTTGCCGGTTATTCAGGAGCTCCAGGAGGATGGATTTGATGTTCAAAGTCT  
GGCTACGGTTTATAAGATACATACCATGCCAGAAAGAGTATTGCCTTCTAGTGATATGGGCAATGGGTACA  
AGATTTTTGCCAGCATCATCTCTCAATTAGAAGAAGATTGATGATACTAGGCTAGACCATTATTGTTCTAAATG  
GTACTACTTCAAGAGGTAACCTGCCACACTCACTGTATAGGAAAAATTAAGATTGCCTTCTTTGTTCTACTCTAT  
ACTTTCTTTGTTGGATCTGTAATACTAATTTTTTTTTTTCAGTAGAGGCAATAGTAGAGCGAATGTTTGTTAATT  
TACATAACAAAATACAGAAACCTAAGTTAAAAAGAACATTGGGTTTCGGTTGAAGAATCAATTCAAACTGAAT  
CGAACATGAACAAGCAGTTTAAACATAATAGATAGTTGAATTGAAGC

>trans\_c\_115 NM\_001072003|Oryza sativa Japonica Group Os10g0573700 (Os10g0573700)  
mRNA, complete cds

ATGGGTATTCCAATTCTTCTTCAAATTTGAAGAATTGTCTTCTTCTTTGGGCTTCTCTCATCCACATTTGCCTCGT  
CTTCATCATGTGAAGCCCAGATTCACTCCCGTTAATCTGGGTTTTTCCCTTTTAAGATCCCCTTCTCGCCACC  
TTCTTTTTGTGGCTCCAATTTTAAACATGATTCATTTCTTCTTTACTTGCAGTTTCCCTTACCATCCATAAC  
CCATCACCAATCACCTCTAACTTTTAGCATTCACTTGTCTCCACACTTTTACATTGAATCTGTACGATGGGAG  
ACGTGGCGAAGGACCTCACTGCCGGGACTGTCGGAGGAGCAGCACAGTTGATATGTGGACACCCGTTTCGATA  
CTATAAAGGTGAAGCTGCAAAGCCAGCCTGTCCACTTCCCGGCCAGCTTCTTAAGTTCTCTGGTGCCATGGAT  
GCTGTGAAGCAAATCTAGCAGCTGAAGGCCCTCGTGGGCTGTACAAGGGTATGGGAGCTCCACTGGCAACT  
GTCGCAGCCTTCAATGCCGTTCTTTTTAGTAAGAGGACAAATGGAAGCATTGTTAAGGTCTCAACCTGGTGT  
ACCCCTAACTGTCAATCAGCAGGTGATTTGTGGAGCTGGGGCTGGAGTTGCTGTGTCCTTACTCGCTTGCCCT  
ACTGAATTAATCAAGTGCAAGTTGCAAGCTCAAAGTGCAATTGGCACAATCGGGTTCAGCTGGCTTAACAGTGA  
AGTATGGAGGGCCAATGGATGTTGCCCGGCACGTTCTCAAATCAGAAGGCGGTGCAAGGGGTCTCTTCAAGG  
GATTGGCTCTACTCTAGCCCGTGAAGTACCCGGAATGCTGCAATGTTTGGTGTGTATGAGTTGCTAAAGCA  
GCGGTTTGCAGGCGGTCCGGACACTTCAAACCTCGGAAGAGGCTCACTGATCGTGGCTGGAGGATTGGCTGG  
AGGTACCTTTTGTTCTCCGTCTACCAACCGATGTTGTCAAGAGTGACTTCAAGTAGATGATTACAAAAACC  
CAAAGTACTCGGGTTCATTGATGCGTTTAGAAAGATCCTAGCATCCGAAGGAGTTAAAGGACTATACAAAG



GTTTTGGTCTGCCATGGCCCGGAGTGTAACAGCAAATGCAGCTTGTTTTCTGGCTTACGAGATCACCAGATC  
AAGCTTGGGATGATTATGAATTTAATCCCCTCTTGAGTTGTATCTTCCTTCCACTATTTGATTGAACATTAACAT  
TCTTCATTTTATTCATAGAAGGCTTTGATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AACCAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAA  
TTTTAAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG  
CCCCGGGGGCGCCTTTTTAAAACGCCGGGGGGGGGGGAAACCCGGGGGTTCCCCATTAAACCCCCTTGCCAA  
AACCCCCCTTTCCCCGGGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCGTTCCCCCTCCCAAAATTTCCCCCGG  
GAAGGGGAAAGGGGACCCCCCGTAACGCCCTTTAAGCCGGGCGGGGGGGGGG

>trans\_c\_116 NM\_117924|Arabidopsis thaliana phosphatase (AT4G18140) mRNA, complete cds

CAGCATATTGCCAATGAAGATCGGAAAAGAAAGGCTGTGACTCTTGACTTGATTGGATGAAACATTAGTT  
CACTCTACTTTGGAACCGCAGGATGATGCAGACTTCGCTTTACCGTCTGCTTGAACATGAAAGAGCACATTGT  
ATATGTTAAACGGAGGCCATATCTTCAAATATTTCTGGACCGTGTTGCAGAGATGTTGAAGTTGCTATCTTTA  
CAGCCAGTCAAAGTATTTACGCAGAACAAGTTCTCAACAACTGGACCCGGATAATTGTATTATCTCACGACG  
ACTTTATCGTGAATCATGCATCTTTTCAGACGGATGTTACACCAAGGATTGACAGTTTTAGGCATTGATTAG  
CAAAAGTTGTCATTGTAGATAATTATCCACAGGTTTTCCGATTACAAGTGAACAACGGTATTCCTATTAAGAGT  
TGGATTGATGATCCCTTGGATTCTGCTTTAATTTCTTTGCTTCCATTTTTGGAGACCCTGGTTGATGTTGATGAC  
GTGCGCCCTATTATTGCCAGAGATTCGGTAACAAGGAATAAGAGCCCTTAATATTACTTATTCTGTTGTTCTT  
GAGTATGGTGGCTCCTGTCTCTCTCTTTTTCTACTGCAAATTAGCTTCTAATCTTTAAATGCTTATCTCTCTCT  
CATCATTGAGCTCAAATTAATACTATTGAATAAACTGTTTGTCTTTCTTTGTTGAGTCAGACCTAGGTGCTTGTT  
ACTTCCTTTTTCTTTCTCTGCTGACTAAAGTGTGCTTTGTCCAATTTTTTGGTGAAGTTAGGTCTAGGGAAT  
GTCTCTTTAATTTATTGTACAGTTCATGTGCGTAGTCATATATGAGAAAGAATGTATATGAATTTAATGTTGT  
GCAAAATAATTCTTGACGGCTATTGCTTCTCTCTTTCTACTTTTCTCAGTGTTATCTAATTTTATCTGGTGT  
AGAATGCTTTCTTTAATTATCAGATTTAAATCTTTGTCCATTTCAATTAATTAGAATTTGGAACCTCAGACTTGG  
ATCTTCTCTTTCTCCATCTGATACTACATAAGGTAAGAGTGTCAATTAATTTGAAAATTTACCACGTCGTTTAT  
ACTTGATGTAGAGTCAGTCTTGAAATAAGACTTCTATTAGTGTTAAGCTATGTAGAAAACTGAAGCCAACA  
AATTCTGAAGTGAGCTGCGTAAAAGGTTAGGATTTGTCATATTTCAAATAGTGGAATTTGGAGCTATGTTGA  
ATTGATTTAGAACCTCGAAGAGTATCCAGGATCGAGCCTAATGGTTAGAGCCGTTGGTTTCAATCAAATTGT  
CAAAAGTTCAAATTTGAATTCTCATGCATAGTTATTAGCTTTAAGGTTGTCAAATATTTAAAGCTACGTGGAA  
GTTCCATAATAAATTTTGATAGGTTAAGGGGTTGGGTGATTATGGAGATTGAGAGGTTGATGTTGATTGG  
TGAATGTTGCTACTCAAGAAAAGACAAGAAACTATGGCAGAGCAAACCACTGAGCGTATATTAATCTCAATC  
AATCGATTGACTGGTGGATTTCTTTTGACACTTTTGGCAGTCATGCTCTTAGGATGTTCTCATATGTCACTTT  
CAATTGATTGAGAAATTGAGATTAATGTTAAGAGGTTTCATGCTATGAAGTATGTTCAATCTTAATATCTTTACCT  
AATAGTTACCTGGAGCAAATAACCGTTG

>trans\_c\_117 NM\_001061953|Oryza sativa Japonica Group Os05g0386000 (Os05g0386000)  
mRNA, complete cds

TTAACGAAGACTGTCCGCACGGTACGCACAAGACTCGATTTTTTTTTCCAGATCTCTCTGTTTGTCTCGATTCC  
AACACGACACCCATTTCTTCTTCCCCGACTCCCTCATGTTCTTCAAGTGAAATGAACCTTCTGTGGCAATCGAACT  
CTTCTTCTCAAGTTGAATACTGTAAAAGAGGTCCGTTGTGTTGCTCCTGTTGCTTGATTGAAAGAAACAGAA  
AAGTTTCATGGATTTTTGTGGTTTCCCATGTTACTGTAGTTCAGGAACTCATCCTATAATGAATTCTGAAAGT  
CCTTGATTTGGATCTCAAAAATAGCTACTATGATTGGGAGGAAGAACACTGGACAGGCTTCCCCACTATTTCTG  
GTCCTCTGGCTCTTACCTTCTGCTTTGTAACCTATAATTTGGTGACGGCTATTATCAGTATGGATCTGTGGGA

>trans\_c\_118 NM\_001058719|Oryza sativa Japonica Group Os04g0182900 (Os04g0182900)  
mRNA, complete cds

CCGGCCGAACGCCCCAACGGCCACCCCTCCCAAAAATGAACATTGTCTTCTTCTCTCTGCTGTCTTACTC  
TTCACCGGCTCGCCAACTCCTCCTACTTCTCCATTGACGAAGCCACCATCGTCGAAATTCAAAACGCCTTCTCC  
CAAAACAAACTCACCTCCACACAACCTCCTCGACTATTACCTCAACAAAAATACACCTACTAAATCCAGTCCTCAA  
AGCGTTCTCGAACTAAACCCAGACGCAAGAGCTCAAGCGGAAGCCGCCAATCGAGAGAGGCTCCTCGCCTGT  
GGAAAATCCCTTGGCGAACTCCATGGAATTCCAATTCTACTAAAGGACGCCATTGCGACTAAGGATCTTCTCA  
ATACAACCGCCGGATCCTTCGCGTTGTTGGGTTGCGTGGTGCTCGAGATGCGACGGTGGTTAGTCGCCTGA  
GGAACGCCGGTGCAGTGATTTTGGGGAACCTTCGTTACAGAATGGTTTAAATCCCGTTCTTCTAAGATTCCC  
AATGGATGGTGTGCTCGTGGCGGTCAAGCGGTGAACCCATATGGAAAAGGAGGGGATCCATGTGGGTCAAG  
CAGTGGGTGCGCGATATCGGTGGCGGCGAATATGGTGGCGGTGTCATTAGGGACGGAGACTGATGGGTGCA  
TTCTGTGTCCGGCTGATTACAACCTCGGTGGTTGGGATTAAGCCTACTGTCGGTCTCACGAGCCGGGCCGCGT  
TATCCCGATCTCTCCTCGCCAAGACACAATTGGGCCCATATGTAGAACAGTTTCAGATGCTGTTTATGTGCTTG  
AAGCTATTGTTGGATTGATCCAATGGACTATGAGGTAACCAAGGAAGCTTCTCAATTCATACCTTCAGGTGGT  
TACAAACAGTTTCTAAGGAAAGATGGGCTTAAAGGAAAGAGATTGGGCATTGTTAGGCATCCCTTTTCTGACT  
TGTATTCCAACAACTCCATGGCCATTCCAACTTTTGAGCAACATCTCAATCTGCTAAGGAAGATGGGAGCAACC  
ATTGTAGACAACCTTCAAATATCAAATGTAGACGTCATTTTGAATCCGTATGAAAGTGGTGAATTCATTGCAAT  
AATAGCTGAGTTCAAGCTGGCCGTAAATGATTACCTCAAGAAACTCATCCAAAGTCCAGTTAGATCTTTGGCT  
GACATTATCTCTTCAACAACAAGCACCTGAACTAGAGAACATGAAAGAGTATGGCCAAGATGCCTTTCTTTT  
ATCTGAACAAACAATGGTATTGGAGAGATGGAGAAGGAGGCAATTAGTAGGATGATGAACTTATCGCGAA  
ATGGGTTCGAGGAATTAATGAAAGGCAACAATTTGGATGCAATGGTGACAATAGGGACAGGAATTGAAAGT  
GTGCTAGCAATTGGGGGATACCCAGGAATAAGTGTCCCTGCTGGATATGAAGAAAATGGAGAGCCATTTGGT  
ATTCTATTTGGAGGTCTTAAGGGGAGTGAACCAAAGCTAATTGAGATTGCTTATGCATATGAACAAGCCACCA  
TGGTGAGAGAGCCACCTCTTCTTCTCGAATTTCAAGTTTGTGAAAGTCTTTGTATCAAGTTTGCAAATTAGAA  
GAACTTTTTTTTTACAGAAAGTAAAAACAAATATTTACAATCTCTCTCTCTCCCTCTAAATTGCAAAATGATAGA  
TGATCCATTTCTTCTTATTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_119 NM\_112204|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7D) (AT3G13580)  
mRNA, complete cds

CTCTCTACTTAGAGCTCCGCAGCCGCTGTCGAATATCTGAAGAAAAGAGAGATGAGCGGGGACGGAGTCAAG  
GGAGGCCCGGTGGTTCCGGAGTCCGTGTTGAAGAAGCGGAAGAGAAACGACGAATGGGCACTTGCTGAGAA  
ACAAGGTTTAGAGGCGGCGAAGAAGAAGAACGCCGAGAATAGAAAACCTGATCTATAACAGGGCTAAACTCT  
ATGCCAAAGAGTACGATGAACAGCAAAAAGAAGCTGATTCAATTGAAGCGTGAGGCTAAACTCAAGGGTGGAT  
TTTATGTGACCTGAAGCTAAACTTCTGTTTATTATCAGGATCCGAGGTATCAATGCTATTGACCCAAAGACC  
AGGAAGATTCTGCAGCTTCTGCGTTTGAGACAGATTTTCAATGGTGTCTTTTTGAAAGTGAACAAGGCAACAT  
TGAATATGTTGCACAGAGTTGAGCCTTATGTTACCTATGGCTATCCTAACTGAAGAGTGTTAAAGAAGCTCATT  
TACAAGAGAGGCTTTGGAAAGCTCAACAAGCGAAGAAGAGCTTTGACTGATAACTCCATCATTGAGCAGGCT  
CTTGGGAAGTTTGAATTATTTGCGCTGAAGATCTCATCCATGAGATTATGACAGTGGGACCTCATTTTAAGG  
AGGCAAACAATTCCTCTGGCCCTTCAAGCTGAAAGCTCCTCTGGGTGGTTTGAAGAAGAAGAGAAATCACTA  
TGTTGAAGGAGGCGATGCTGGAAACCGTGAAAACCTACATCAACGAGCTAATCAGAAGAATGAATTAAGATAC  
TTTTGTGTTCTTTCTGAAGTTTTCTGCTGGGGGCTGGAAAACCTCTCCTAATAGGTTTGTCATCTGAAGTATGG  
TTTTTGAATCAGAATGTTTTGCTATTTTCATCATTAGTGTACTTTTATCCTCGGAATTTTCAACTTTGAGAATGG  
TTTAATTTTGTCTTATATTAATTAGGGAATCTTCTAAAAATTTTGTGTTACCATCTCATATTAAAGTTCATGA  
CTTCCATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAACC  
CCCCAAAAAAAAATAAAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGCCCGAAACCAAATTCCCCCAAAAAGGAACCA  
AAAAACCCCCCCCCCTGGCCCCCTTTTAAAACCCCCGAACGGGAAAAACCCCGGTTTCCCAATTAAAACC  
CCTTGAAAAAACCCCCCTTTCCCCCCTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCCAATCCCCCTTCCAAAAAT  
TCCCCACCCTAATGGAAAAAGGAACCCCCCTTAAACCCCCCATAAACCCCCCGGGGGGGGGGTTTACCCC  
CAACGGGACCCCAAATTTCCCCCCCCCAACCCCCCCCCCTTCTTTTTTCCCTTCTTTTTCCCCCCTTTCC  
CCGGTTTTCCCCCAAAATTTAAAAACGGGGCCCCCTTTAGGTTTCCAATTTAGGGTTTTACCGCCCCCCCCC  
CCAAAAATTTAATAAGGGGAATGTTTCACGAATGGGCCATCCCCTAAAAAACGGTTTTCCCCCTTTAAAT  
TTGAAACCCACGTTTTTAAAAAAGGAACCTTTCCCAAACAAAAAAACCCC

>trans\_c\_120 NM\_115862|Arabidopsis thaliana MAP2B (METHIONINE AMINOPEPTIDASE 2B);  
aminopeptidase/ metalloexopeptidase (MAP2B) mRNA, complete cds

TAGGCGGACTATTTACAACTCTTGGTCATAGGGTTGGTTTTCTTCACAACTTCCCCTCTTCTTCTTTTCTTCTT  
TAAACAAGAATAAATCCCAATCGCCGCGCGGAACGTTCTTCCAACATATGGCTGACGAAAATCACATTGAAGTT  
CCTGTTCTGATGATGGGGCTCCTGAAACCAGTAATGGGCATGAACAGGATTCTGTGCAACTTGCTCCGACGT  
CACAAAAGGGTGAAGATGATGTTAAAGAAGGGACAAAGAAAAAGAAGAAGAAAAATAAAAGCAAGAAAAA  
GAAAGAGGCCCTAACAGACAGATCCACCAACTATCCCATCATTGATCTTTCCCATCTGGGGATTTTCCAG  
AGGGTGAAATTCAACAGTACAAGGATGATAACCTGTGGAGGACTACATCTGAAGAGAAGAGGGAGTTGGAG  
CGCCTTGAAAAGCCAATCTACAATTCATTGACGAGCTGCTGAAGTTCATCGTCAAGTAAGAAAATACATAA  
GAAGCATAGTGAAGCCAGGGATGTTAATGACTGACCTTTGTTAGACATTAGAAAACACAGTTAGAAAGCTAA  
TATTGGAGAATGGGTTGCAAGCTGGCATAGCATTTCGACTGGATGTTCTTTGAACTGGGTTGCTGCTCATTG  
GACCCCTAACACTGGAGATACGACTGTGCTTCAGTATGATGATGTAATGAAATTGGATTTTGAACACATATT  
GATGGATGCATAGTTGATTGTGATTTACAGTTGCATTCAATCCTATGTTTGATCCACTACTCGAAGCCTCACG  
TGAAGCAACTAACACTGGCATTAAAGGAGTCTGGAATCGACGTAAGGCTTTGTGATGTTGGTGCTGCAATTCAG  
GAGGTCATGGAGTCATATGAGGTTGAAATTAATGGAAAGGTGTATCAAGTCAAAGCATTCCGAATTTGAAC  
GGACATAGCATTGGTCGTTACCAGATCCATGCTGGTAAATCTGTTCTATTGTGAAAGGAGGGGAGCAAACCA  
AAATGGAAGAGGGTGAATTCTTTGCAATTGAAACCTTTGGATCTACTGGGAAAGGATATGTTAGAGAAGATC

TTGAATGTAGTCATTACATGAAGAACTTTGACGTGGGCCATGTTCCACTAAGGTTGCCAAGAGCCAAGCAATT  
GTTGGCAACCATTAATAATAACTTTTCAACGTTGGCATTCTGTGACGGTACTTGGATCGCCTTGGGGAGACTA  
AGTATCTTATGGCATTAAAGAAATTTGTGTGATACTGGCATTGTTTCAGGCCTATCCTCCATTATGTGATTCAAAG  
GGCAGCTATGTGTCTCAGTTTGAGCATACCATTTTACTGAGGCCAACCTGCAAAGAAGTGATTTCCAGAGGTG  
AAGACTATTGATAATGTAGCGCAAAAAGTAGTCCTCATTTGAAGCCTCTTATATTTCACTATGGCTTCTAATGCT  
TTGTAATATGTTTTAATTGGAGTCTTCTCTATACATTTTGAAGGCTAACATCTCTATACATAGGCATTTATAAA  
TTTCGATTACATACTAATATGTTAATGCTTATTTAGTGTCTGCTTTTTGAGTGTATGAGAGTTACATGACTATCT  
TTAAGATTTTATGTTGCATCTTTTTGTATGAACAATATTTATATTTTGGTAAGTTAAAAGACCATCAAATATGC  
TTATAAAAAGAAATAATTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_121 NM\_123595|Arabidopsis thaliana UBL5 (UBIQUITIN-LIKE PROTEIN 5) (UBL5) mRNA,  
complete cds

TCGTGCTCAACGATCGTCTAGGAAAGAAGGTACGTGTGAAGTGCAACGAGGACGATACGATCGGAGACTTGA  
AGAAGCTTGTAGCCGCTCAGACCGGAACCCGGGCTGAGAAAATCAGGATCCAGAAGTGGTATAACATCTATA  
AGGATCATATCACTCTTAAGGATTACGAGATTCATGACGGCATGGGGCTGGAACCTCTATTACAATTGATTACG  
TATCGCTAACCGTTCATGAAATAGTTCTTAAATCTACAGAGAGAATCTCGGCATGGGGCTGGAACCTCTGTTAC  
AATTGATCGTATCGAGTGCTGTTTTGTTATGGGTTGTGTTAAGGTTCTGGCTCTCTAAGACGATCAATCAGAG  
ATTAATTTTCGATGGATGGATGGGGTGACGGTGGATGCCGCCGTATTGTGTAAATCGAAGTGCAGATACTTTG  
TGGCATAAGGATTCCTTTTCGTTTCCTTTTTCTATTTGAAATATGGTATTTCTCTGATGTATCGGCGTTTTCTC  
TCTCTCCGAGGTATGGAGATCTATGGGCGTTCTCTCTCTGAGGTTTGAAATCCTATGAAAGACGCGTACCTG  
TTTGTTGAATTACCTACTTTATGGATTACAATGGGTAGCTCAAGTATTGGAAATTTCTTTGTGAAGGGGAGTTT  
GTTTATTTGAGAACTTATTTTAAAGGAACCATATATTTGTTATGCTCATCTTAATTTCTTTAATTGACTCCTT  
ATTGTAGGGGCTTCAACATTTTCCCATATTCTCCAGGTCTTTAAATGAGCCAGAAATTTAATCTTAAGTTGATG  
CTTAGTTGTTGTGTGGCTATGTCATGTGCTGCCGCCCTGTCTCATTGGGTTTTATGCTTAAAGAGTGCAAGATT  
CACGCATAATTTTCCATTCCAAGTATAGATGGTTCATATAGTGAGATGTGAATTAGTATAGTTTCCTCATGGTG  
ACAAATAGGAACACAACAGGTTCAAAGTAACTGGGGAATGCTGAGAGGAGACCGCCAAGCTAATCTGTGGC  
AGAAGGGTTCAGGATGAGATTCTTGTTATTTTACTGACAATGAATCCATTTATTGTGAGTAAGATAACACAA  
AATTTGCTATTTTTTGTATCGAACTTTGCTATTTGATGAGAAGTCACTTTTTTATACCAAGGGTAGGCATTTCC  
TTGATTTCTATATGAACATTTCTTTCTAAATAACGATGGTGTCCCTTCGATGATAGAATTTTATTTGTTCTGTTA  
GACACCGTCTACCATCTACTGGTCATCTGATGGGAGTAGCATCTCTCGTGGTGTGAAGGTAAACTATTTTGGC  
CTCATGGTTCATAAGTTGATTAGATTGGCGGAATTGAGGATCAAGAGCCGGGTTTGTTGTTTCCTTCTTTGG  
CTGTTCAAGTTAGCAAATTCTACTCCAATGTGTTTCTCTATCGTAATATTTTGAAGTCAAGTTGTGGACTTCAATT  
GTTAAAGATTCGTGGGGGATTTAGGTGTCTTGTTGGCGTTTCGCAAGAGCGTTTTTGGAGTAATATTGTCATAT  
CTGACTAACGATACCAAATACCAAATTTATTTTGAATTTGATTGAGCAACAGTACTGGCTTAATTGTACTGAAT  
GAACTATGTTACCTCCCTCCTTTTGACTTTGATAAGTGTATTTCTTCTAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_122 AB004247|Citrus unshiu mRNA for H<sup>+</sup>-ATPase catalytic subunit, complete cds

CAGCGCCCGGTCAATATTCATTGAAGGATACTGTTCTAGAGCTCGAGTTTCAAGGAGTTAAAAGCAATTTAC  
CATGCTTCAGACTTGGCCTGTGCGTACTCCTAGACCAGTTGCATCGAAGCTTGCAGCCGATACCCCTCTTTGA  
CTGGACAGCGCTTCTTGATGCACTTCTCCCTCTGTTCTTGGTGGAAACATGTGCCATTCTGGAGCGTTTGGT  
TGTGGAAAAACAGTCATTAGTCAAGCTCTCTCAAATATTCCAATTCTGATACAGTGGTATATGTTGGTTGTGG  
AGAGAGAGGAAATGAAATGGCTGAAGTCTTATGGATTTTCTCAATTGACAATGACATTGCCTGATGGTCGT  
GAAGAATCTGTCATGAAGCGTACCACTCTGTAGCTAACACTTCTAATATGCCTGTGGCTGCTCGTGAAGCTTC

GATTTATACTGGAATTACTTTGGCCGAGTACTTCAGAGATATGGGATACAATGTAAGTATGATGGCAGATTCA  
ACATCTCGATGGGCAGAAGCACTACGTGAAATATCTGGACGATTGGCAGAAATGCCAGCAGATAGTGGATAT  
CCTGCTTACCTAGCAGCACGTTTAGCCTCTTTCTATGAGCGTGCCGGTAAAGTGAAATGTCTCGGTGGGCCAG  
AACGAACTGGCAGTGTACCAATTGTCGGTGCAGTTTCTCCACCTGGAGGAGATTTCTCTGATCCAGTTACATCT  
GCTACCCTCAGTATTGTCCAGGTTTTCTGGGGTCTAGATAAGAAGCTTGCCAGAGGAAGCACTTCCCTTCCGT  
GAACTGGCTAATTTCACTCAAAATACTCCTCTGCGTTGGAGTCTTTCTACGAGAAGTTTGATCCAGATTTTAT  
TAGCATCAGGACGAAGGCTCGTGAAAGTCCTTCAGAGGGAAGATGACCTCAATGAAATTGTCCAACCTGTAGG  
GAAAGATGCCTTAGCCGAAGGAGATAAGATCACCTTAGAGACTGCAAAGCTTTTGAGGGAGGACTATCTTGC  
TCAGAATGCATTTACTCCGTACGATAAATTCTGCCATTCTACAAGTCGGTCTGGATGATGCGTAATATCATTC  
ATTTCTACAATTTGGCTAATCAGGCAGTAGAGAGGGGAGCGGGTATGGATGGCCAAAAGATAACATACAGTT  
TGATTAAGCATCGGTTGGGAGATCTATTCTATCGCCTCGTGTCTCAGAAGTCCGAGGATCCAGCTGAAGGAGA  
ACCAGCTCTCATCGAAAAATTCAAGAAGCTACATGAAGATCTGACAAACGGTTTCCGTGCTCTCGAGGACGAA  
ACTCGATAGACAACAAGAATTTGTTTGGCGACTTCGTGCCAGGTCTGGTGTTCCTCCTTTGATTTTGTAGAAT  
AATATCGATGTATTATGTTGGTTTGGGTGCGGTGCGCACTTTCGGTTAGCTATTATTAATAATGTGCATTATT  
TTTCTCCACCCCTCAAGTTTTTCCGGGTTCTGATTTTGGCGTTCAGAACTGAGATTCTTATACTATTCCCTTAT  
TTATCTTATAATATCTGTGCAATAAAATGGATCCGAGTTTGTATTTTGGCGTTGTTTTTTTCTTCTGGGACATA  
AATGGATGTAATAACATTTGGGAAAATGAATGTCCATTCTCCTTAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_123 XM\_002871868|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATSUG1, mRNA

AAAGCGCAAGAAACCAGGCACACCCACCTCCATTTTACAACATTCATCTTCTCGCTCGACAAAGTCTCATTTTC  
CAGTTTGGTTATCTTTTGTCAAATCTAGATCGTCCAGTTAAAGGAGTTCGATTTTCTAGGTCTTTCCAATGGC  
GACAATGGAGGTGAGACCCAGAAAGTGCGTCGCGCTGCTTAGATGCTTGCTCGGCGAAACAGGCGACGA  
AACAAGGTGAGGGTCTGAGGCAGTACTATCTCCAACATATTCACGAGCTCCAGCTCCAGGTCCGTCAAAAAGAC  
CCATAATCTAAATCGTCTTGAAGCTCAGCGTAACGAGCTGAATTCGAAAGTACGCATGCTTCGGGAAGAGCTC  
CAGTACTTCAAGAGCCAGGATCTTATGTTGGTGAAGTTGTTAAAGTCATGGGAAAGAACAAAGTTTTAGTTA  
AGGTTTCATCCAGAAGGGAAATATGTTGTTGATATTGACAAAAGTATCGATATCACAAAATCACACCCTCAAC  
CCGAGTGGCTCTCCGTAATGACAGCTACGTTCTTCATTTAGTCTTGCCAAGCAAAGTGGATCCACTTGTTAATC  
TTATGAAAGTTGAAAAGGTTCTGATTCAACTTATGATATGATTGGTGGTCTAGACCAACAAATAAAAGAAAT  
AAAAGAGGTTATTGAACCTCCCATTAAGCATCCTGAACTTTTGAGAGTCTTGGAATAGCTCAACCAAGGGT  
GTCTTGCTGTATGGGCCACCTGGTACAGGGAAAACACTGTTGGCTAGAGCAGTGGCTCACCATACAGATTGTA  
CTTTCATCAAGGTTTCTGGGTCTGAGTTGGTCCAGAAATATATTGGAGAAGGTTCTAGAATGGTCAGAGAGCT  
TTTCGTCATGGCTAGGGAGCATGCACCTTCTATTATTTTCATGGATGAAATCGATAGTATTGGGTCTGCTAGAA  
TGGAATCTGGGAGTGGAATGGTGATAGTGAGGTGCAGCGTACTATGTTGGAACCTCTTAACCAGCTTGATG  
GATTTGAAGCATCAAATAAGATCAAGGTCTTGATGGCCACCAATAGGATTGATATTCTGGATCAAGCTCTCCT  
AAGGCCAGGACGAATTGACAGGAAGATTGAATTTCAAATCCTAACGAGGATCCCGGTTTGATATCTTGAAA  
ATACATTCTCGTAAATGAATTTGATGCGTGGGATTGATCTGAAGAAAATTGCTGAGAAGATGAATGGTGCAT  
CTGGTGCAGAACTCAAGGCCGTATGTACAGAAGCGGGGATGTTTGCTTTGAGGGAAAGAAGGGTTCACGTG  
ACTCAGGAAGATTTGAGATGGCTGTTGCCAAGGTGATGAAGAAGGAATCAGAGAAGAACATGTCGTTACGA  
AAGCTATGGAAGTAGAACTATCATAAGAAGCAGCCAAGGCGTGGCAAATTCTGAATAGTGCTTACCTTTTTAT  
TCTTGAATTCTTCACCTCACCTGGCTGTGCCTAGAGATTTGTGCAACTTGGTTTATGTACCTTGAATGATGTTTT  
ATAGTCGTTCACTCATTTATTTTACCTGGATCTTGTAACCTTAAATCCCTCTCATTGCCACATTTCTTGACCAT  
CTCCTTTTCCAGATGTATTGACAAGTTGATGGAAGCTGGTAAGAATTAAAGAATTACCCAATTGAAAATGATTT  
ACTTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_124 AL161533|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 33

AAGCTTTTTTCATTTTCATTTCTCCATTCTCATCTCTACCAATTTTGTATTTTTCTTCTTCTTAAGATGCCCATGGA  
CCGAATTCAGCCAACCTCCGAATCCCCAAGCACCAGGCTCATGGTTCTCTCCATCGAATGTATCAAAGGAAGCT  
CACGCGCCGACGAGTGGACCGGCGACATGCTTCAGACCGGCGACATAGTCGAGGAGCTAACCATCGGTTTCAT  
CTCTCTGTGTTAGATCCCCTTTCAAGCACGGCCGCTCCGGAATCAAAAAATTCTACACAATTCCTTCAAGGAC  
AAACAGACTTCCATCCTGGTTCGTGTCCGCCGTGGCCGAGACGACTTCTCCGAGCTGCAGGCCTGTATTGTCC  
CCAACGATTCCGCCGAAAAAAGCAGTACGTTCTCCGTTCCATCACTGACCCGAATTACGTTGTCGGGTTTCATG  
GATCGCACCGAGTCAGAATGCTTCGACCTTCAAGCATCTAGGAGTGACAGAATGGTAAATGCATTAGAAAAGA  
ACAAGGCTTCAAGATGGATATGTAACATACTCATGGGAAAGAAGAATGCATGAATCGCTATCTGTTCCATATT  
CAAGCTCTTTTCTTTCATTCTTCTTCTTCCAAAAGCTGCTAATGAAGTTGCCACTCACTACAATGATTGGAAG  
ACACCTTGCAAGAGCCAATGCTTGGCTCAATTCACCTCAGGCCACTGGTGTCCCCATTGTCTTTATGAATATC  
CAAAGTGAAGTCTCTCTTAACAAAGATATCTGGAGATACAGCTTCTTCTACTGTCAATGCTGGGTCCTTGTCTGA  
TTTGTCCAATCTCGCCAATGCCAGTCTCTATGGGTTTGAAGATTACCATGGGGTTGATATTGGTGTCTGTTTCGAT  
CTGTTCTGTCTATGGTATGCTCCACTCGGAGGAGAGCTTCTATTGAGATCAAGCTTAAAGAAGGTGATTCTAA  
ACTGGGGTTTTTCCATTGGTCGCACGGAAGAGGGATTTATCTATGTTTCAGCGGTGGATGAAGATGACAATGC  
GCCATCTTCAAAGTCAGGACTGAACCATCTATACAAGGAAGCTGAAAATGCATCCAAGCTGTTAATAATCTCT  
AGAGTTTCGAATCAAAAGGTTCTCCCATGGATTGTATCCTCAACCGGAGCAATTCGATGCTTCGACACGGTTTC  
ACTTAGCCAGAAGCTGTCGTTGCATAGGCACGCCAAGGTTCCAATCTTCTTACACGTCTTTCTCTGGGACAGAG  
AATTGTTAGCTTCTCTAATCAGCGCTGCCCCAATTAGGCAAAGATCGACATCTTCGCAACCAGTTGCTCCAGCA  
CGACTGGCTTTGCCTCCAGAATTTCAATTACCTCGCCAACCAAATGATAATCAAATACAGCCATTGCCGGCCGA  
TGCAATTCAGTGAGAGTGGAAGCGTGAGTACAGATGAGTCGTGTCATCAAGACAGAACGAGAAACCGCTG  
GTGAACTTTCCTTCAGATTTTACGAATTTTCCCTATCAAGCAACTGAATGATATTTGGGTTGCTCTACTTATTGT  
TACATATCTGATTAGAGAAATTAATGTTCTAAAATTTACTATATAAAAAACAAGTTCTTAGGTATTGTTGAGT  
ATAGAATCGTTCGTTCTGTATCTTCTAGCGCTTGTGTATCCATACAGAAAAATTATAAAAAAAGATTGCGTAGA  
CTTTAATACAAAAA

>trans\_c\_125 NM\_001036175|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-  
related (AT1G68410) mRNA, complete cds

AGAGATTGGAGAAACCGACTGTAAGATATGGGAATGCAGCGCAGTCTAGAAAAGGGGAAGACTACTTTCTCA  
TGAAAAGTATTGTCAGCGAGTTCCTGGGAACCTTCATCCACTTTCTCTATATTGCTATATTGATGGACACA  
ATGGAAATGCTGCAGCAATTTTACGAGGGGAACATTTGTTGAGTCATGTCTTGGGTGCTCTTCCCCGTGGTCT  
GGGGCAGGAGGAGTGGCTTCAAGCTCTACCACGAGCTTTGGTTGCTGGATTTGTGAAGACCGACAAGGAGTT  
TCAGAGCAGAGGTGAACTTCTGGAACCTACAGCGACATTTGTGATCATCGATGGATGGACGGTAACAGTAGC  
GTCAGTTGGCGATTCTCGATGTATTTAGATACTCAAGGGGGTGCCGTCTCTGCTTTAACGGTTGATCATCGAC  
TTGAAGAGAATGTTGAAGAGAGAGAACGTGTGACTGCAAGCGGTGGGGAAATTGGAAGATTAAGTATTGTT  
GGCGGTGCTGAGATCGGCCACTCCGTTGTTGGCCAGGAGGCTTATGCCTTTCTCGATCCATTGGAGACATGG  
ATGTTGGAGAATTTATAGTTCCAATTCCATTTGTGAAACAAGTAAAGTTACCAAATGCAGGTGGGAGGCTTAT  
AATTGCTTCTGACGGCATCTGGGATGCCTTATCATCAGATATGGCTGCAAAGTCCTGCCGTGGACTACCGGCA  
GAGCTTGCTGCTAGGCAAGTTGTGAAGGAAGCCTTGAGAACAAGAGGCTTGAAAGATGATACAACCTGCATA  
GTTGTAGACATCATTCCTCCTGATAATTCAGCACAGTCTTCCCCTCTTCCAAGAAACAAAGCGTACTGAAATC  
TCTATTATTCAGGAAAAAATCTCCAGTTCTAATAAGTTATCGAAGAGGCTTTCGGCTATAGGTTTCGTGGAAG  
AACTATTGCAAGATGGCTCCGCTATGCTGGCTGAAAGGCTTGAACTGTAGAGTTGAGTGGATCTGGACATG  
GGACACCAAACATGTTCACTTGTGTTGTATGTCAAGTAGATCTTGCTCCAGTGAGGGCATCTCTGTTTCATGCT  
GGTTCATCTTCTCCACCAGCTCAAAGCCATGGCAAGGGCCTTTCCTTGTGCCGATTGTCGAAACAAGAAGG

ATGCCATGGAAGGAAAACGTCCCAGCAGGGTAAGAGTGGCCTAGATCACTTCCATTTATTATTAACCTCTTGA  
TTCTTTCTCTTCTTTGAATCTCTACTTCGACGGGGCGAGCAAGCAGCTGCTTGTTACAGATGATGATAGTACAA  
TAACATACTTTGCAAAAGTGGTGTAAAGATTGAAAGTTAGGAATTGAAAGAAGGATGTGTTAAGGAGTAGTGA  
TTACTACACAGTAAGAGAAGAGTTGAAGTTAGTAGGAGGGGCAAAAGTAAATAGCTAATTATTTAAGTTAAG  
CTAATGTTTAAAATGAAATGAGACTTGACTAATCCACAAATTGAAATTTGTGCCTGTATATTAGAAAGATCTCT  
CTCTCTTTTTCTACTTTTCATCATTATTATTTTGTGTTTGAATCTAAGTTTATAAATCTTGCCTTCTGCTTTCAATCAG  
AGGATGTAGTGAGATGAGACACACTGTTCCATTCTATTCTGGTATTGAATGATGTAAGTTTATTTATTTATTTA  
AATAGTTATTTTCATTTCAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAT

>trans\_c\_126 BT025331|Arabidopsis thaliana At5g06830 mRNA, complete cds

GGAGCAACGAAATTCTATGCAAAAACAATGCAAGCCCCGATGATATTCGTAATCTTCCAATCGACATCACATT  
CTCCCGTCTTGGTGAATGGCTCGTCGATCGGAAAAGAATCCCTTCTGATTGGCGTAAGCGTTTAGCTGCGTTG  
AAAGTTCGCATCACCAAGGAGCTCTTGTCGCTCCCCAAGATGCCGATCCCTATTTCCATACCTTAGACCCTGA  
AGATATTGGTTATTTAGAGGCAAAGAAAATATATAATATTCTTCTAGAGTCAACCCAGAAAGCCGGAATATA  
TTTGGCCGGCTATCAGGTGCTGCTGGTGTGTTGGGAGGTGATTGTACGAGCTTATGAGAAGGATCATATTTTTC  
TTGGCGAGGCTGCTCAAATAATTGTTTCAAGATGTGAATTATGAAATCCCATATCAGAAGAAACAGGTTCAAAA  
GATTCATCAACAGCTAGCTGAGCTGGAACGTAAAGAATCTGATACTAAAAGAAATGCTTCTCTTTCAGCAGCT  
AAATATGTCGAGGCTTGTGAGGATCTCGGTTTGCAGGGAAAAAATGTTAGATCTGAACCTTCTGGAGACTGCAA  
GGTCCCTTCCAAGCACATTTAGCAGAATATTGGAAGTTATAAATGGTGATTGATGTCACGTGCTATCGAATAC  
TATTCCAATTTTGTAAAGGGATGCTCACTCGGATAAGGATAAACACTTGACTGTATTACCAAACCTACGGCATAT  
ACATGAGCATCCTCCTTCTTACATGTATCTGTGGGCTTTGAGAATGTTGATTCTGTAAATGTTGAGTCAAGCTA  
CATAGAACCAGATGCTATTGGACAAACAGGAATTGCTGCCGATAATATTGACTGGGATATATCAATGGAAAAT  
GATCAAATTGATTGGGATATAGGTGCATTGGAAGAACTGAGGATACAGGAAATGGTTTGGGACCTTATGAA  
ATAGTTCATGCAAGTGAAGCTGTGGAATCATACCCAATGGAGTCTAATAAGGAGGGTGTACTACATTGCCCCG  
AGGCTACTGTGTCTGAGATATCATGGGATGTCAGTGTTGAAACACCGCAAGTTGATATCATCGATGATGTAAC  
CTTGCCCTGATATAGTGGTGGATCATAATACATTCATCTCTTCAACTCAGTCTGGAGAAATCACTGAAGTTCCGA  
GTCAGCTTTTGGAGACTGAGTATAGGAATAAGATTCTTGATGATCTATATGAGGTTAAGGCATTTCTATCTCAA  
CGTTTGAATGAGTTGAAGAATGATGAAACACTGTCTTTGCAACATCAAGTCCAGGCAGTTGCTCCCTTTGTGCT  
GCAGCAATATACTTCTGATGCCATTGAGACGATGTTATCAGATGTTTCTTGGCTATAACATTAATGTCAAGTA  
GGAAAACCTCAAGATTTAATTATGATTCTCAATTCTAAAAGGTACTACAATTACTAGGTCAATTGTTTTCTATTG  
TTCAAATCACCTCTCGTAGGAATTTTCCAGATTTGATTACAAATTTCTAGAGAAATGCAAATAAAATGAAGT  
TACTTGTTACTCAATTTCAACCACATTTTCAATAAACTACTATCCCACTTAATTTACTATTCTAAGTTCTCATGTCT  
TAGCTTTTTCTGTGGTGCTAATATTTAGTTTTTGTGTAACATCTTTGATTGATGAATTAACATTGTAAAGCTG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_127 NM\_001054525|Oryza sativa Japonica Group Os02g0726400 (Os02g0726400)  
mRNA, complete cds

TCCTTGTCATTGATGATACCTCTCTTGGCACAAGCATCCCGATTGTCTTTAAGTCGTGAACCTTTGTTATTGT  
CTTTAAATTATAAAGTCAATTTTAGTATTTGATCACATTCCTCAACATGTTGCAAAGCCTAATAAATAATCTT  
ATTAACCGAAAAACCAAAACAATATTTTAAACGGAAAAAACCAAAAGCTTGGCCACGTAATCAAAGATGAA  
CACGTGGAGCATTGTCAAACCGGAGAGCAGCCTGAAATCGTGTGCCTTCCCTACCGGATTTTCTCTTTCCTC  
TATTCTCTCATCCCGTCGACGACGACGACGAGAAGAAGCCGTTTCGTTGATTCAACGTTCAAGTTGCGGTCAG  
CCATGGATTTCTGGAACAAAGCTCGAAGTTTTCGCCGAGGAAGCTGCGAAGCGCTCGCAGGAGCTAACTCTTG  
AAGCTGCAAGGCGTTCCAAGAGCTCACCATCGGATCCTCTAGATTGTCGACATCGTTTCTGAACTGCTAAA

CGCTCCAAGGAATTCGCTACCGAGGCCTCCAAACGAGCTGATCAAATCAAAGCGGAAGCTGTTAAGCGAGCC  
GATCTCATCAAGCACTTGGTCGAGAGGACTCCGCCGTCCGGCGTCTTGAGAAGAAGGCTTCAGATGAAGAG  
ACGCGGGAAGAGGATTTGCAGAGGTTTGGTATAAACGAAGAGCTGAGAGACTTCGTTAAAGGCATCACTATG  
AGTACATTTTCGGGATTTTCCACTCGAAGATGATTGAGAAATGTCCAATGTCCCCACAGTCTCAAATATCAGTCA  
GGATTTAACTGAGTGGCAGGCGAAGCATGCAAGTCTTGTTCTTCAACTGTCAAGGAAATTTCTAAGTTACGTT  
ATGAATTATGTCCACGCATTATGAAGGAGAGAAAAATTCTGGAGGATTTACTTTTTACTGGTGAACAGGCATAT  
TGCACCCTATGAGAAAAAGTACGTGGAGGGCGTCGTGCTGAAATCAGATAAACAGTTGAAGATGGAATGAT  
GGAACCTGTAAAGCTGAAATAACATCTACATCTCAGGAGAAGAAAAGTCTCAACCTCCTCATCAAGTGAC  
CAAGACTTGGATGTATTTCTTCTTGAGATCTTGAGACAGTGATGAAGGTCCAGATGATGGAGATGATGAC  
GGCTTCGATGATGATTTTGACAAAATGGTTGACACTTCGGATGACGAGGAAGACAAATTGTAGGAGACAGGT  
GCAGGAGTGTTCACATCGAATAGTTGTTTTCTCATCCTTTGAACTCGTCTTTTCCCATCCTTGGTGTGGTG  
GCAGGGTTCGGTTCGGTGGGCTACTAAATGATGATCCAATTAACCCATTTGAAGTTCTATCACTTCACTTGA  
CCCAGCTTTAGTGCTTATGCATTTAACTTGTGCTGGATAAAGCGTTATCTTATGTTCAATTATACCCCCCTTCTC  
TTAGGGAGGTTCTATGTACAAAAGACCCCTCTATTCTTGGAACTTAAGAGTTGATCTTGTATAGGACTCGTCA  
ATTCAACTATTCACATTTTGTCCCTGTAGACCTCTCGATTCCAACTTTAGTTTTGTGTATATTTAGTCTTTCA  
ACTTTCATTGTGCAATTTAGGAATGTTTGATTTGTTTCTGACTTTTAATTTATATCCATCTAGTGATTTGGCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_128 EF640319|Lupinus albus GDP-dissociation inhibitor mRNA, complete cds

ATTTTTGGTATGCATGCCAATTGACTCCTCCAGGAAGAAGGAAGCCCTAGGTTGAACAAGAGGATCTAGTCGC  
TCATCAAATCTTACTGTAGATCCATTTCCACTTCGTATTGTTCTTAATTCTTCTTTTCTCACACCTTCAATCGCC  
ATGGATGAAGAATACGATGTTATTGTGCTTGAACCGGTCTCAAGGAGTGCATCCTCAGTGGTCTTCTCTCCG  
TCGATGGCCTTAAGGTTCTGCACATGGATAGGAATGACTATTATGGAGGGGAATCTTCATCGCTTAATCTCATT  
CAGCTTTGGAAGCGGTTTAGGGGAGATGACAAGCCACCTGCCCATCTGGGTTCTAGTAGGGACTACAACGTG  
GACATGATTCCAAAGTTTATGATGGCAAATGGAACACTTGTGCGTGTCTTATCCATACAGATGTAACCAAGT  
ATTTGTCTTTTAAAGCCGTTGACGGTAGCTATGTGTATAACAAAGGAAAGATTCACAAAGTTCCAGCCACAGA  
TATGGAAGCTCTTAAATCTCCACTTATGGGCTTATTTGAGAAGCGCCGAGCTCGCAAGTTCTTCATCTTTGTTT  
AAGATTACGATGAAAGTAATCCTAAGACACATGAAGGAATGGACTTGACAAGAGTGACAACAAAAGAATTGA  
TTGCAAAGTATGGACTGGATGACAACACTATTGACTTCATTGGTCATGCATTGGCACTTCATAGAGATGATCG  
CTATCTTGATCTGCCTGCATTAGATACAGTAAAGAGAATGAAGCTTTATGCGGAGTCTCTTGACGCTTTCAAG  
GAGGGTCTCCATACATCTATCCTCTATATGGATTAGGAGAGCTTCCACAGGCATTTGCTCGCCTTAGTGCTGTC  
TACGGTGGAAACATATATGTTAAACAAACCTGAGTGCAAGGTGGAATTTGATGACGAAGGAAAAGTTATTGGT  
GTCACATCAGAAGGGGAAACTGCCAGGTGCAAAAAGGTTGTCTGCGATCCTTCTACTTGCCCAACAAGGTCA  
GGAAGGTTGGTAAGGTTGCCAGGGCCATTGCCATAATGAGCCACACAATACCAAACACCAATGATTCCCATT  
GGTGCAGATTATTATACCGCAGAAGCAGTTGGGTGCGAGATCGGACATGTATGTTTTTGTGCTCTTACTCTC  
ACAACGTTGCTCCAAGAGGCAAGTTTATTGCTTTTGTACCACAGAAGCTGAGACTGATCATCCCGAGTCAGA  
ACTAAAACCAGGAATTGACCTGCTGGGGGCCATTGATGAGATATTTTTGATACATATGACAGATACGAGCCA  
GTCAATGAACCATCTCTGGACAATTGCTTTATATCCATGAGTTATGATGCTACAACACATTTTGAATCAACCGTT  
GTTGATGTGCTCAACATGTATACAATGATACTGGCAAGGCTGTTGATCTGAGTGTGGATTTGAGTGCTGCTA  
GTGCTGCAGAAGAATGACAAAGCCTCGGAATGCTTTTTTAATAGTTCGCTTCTCTTTTTTCACTCTACTATC  
ATCTATACCCTAAACTTAGAGATGTGCTTGTATTTTCTGTGAAAAAATGATTTGATTTGGTCCCGTGTTC  
TTTATTTTCATGGACTAATTATNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_129 XM\_002884971|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription factor, mRNA



TCTCCCTGTTTTTCCGTCAACCAAAATTAAACTCTTCATTTTTTCTTCTTTACAGAAATTATGCCATTTTCGCCG  
GTCAACCCCAAAACCCTAACCCCTTATCTCTTTCTCTCTCTCCGGGATCGTACCATTGCGTTCCAGATCG  
CGGCATATCTCCGGCCCATGACGGTACCGGACCGATTGCGATGTGCCGGTGAACCAACATCACGTTATTTCCA  
TCTAGTTGCCAGATCGGTGCGCAACATTTTCGGATCGGTGATTTTTTGTACGAAATTGGACCTGATTCCATGAA  
GGAAGACGACGAGATTCACTCCTATCCGTCGCCGGGAAGTGGATCTCCTGCTTCGCCGATCTCTAACGGTCGG  
ATTACCGTGACGGTTGCGGCGGTGGCGCCTCCTCCTCCTCCGCCTTCTTCTCAGAACATGATAACCTTGGCACT  
GCCGAATCAGCAGACCAAGGTGGCGGCGGAGGAAGCGGCGGAGGCGGAAGGGAGGATTGTTGGAGCGA  
AGGCGCGACGTCTGTGTTGATCGATGCTTGGGGAGAGAGGTATTTGGAAGTGAAGTAGAGGGAATTTGAAGC  
AGAAGCATTGGAAGAAGTTGCTGATATTGTGAGTAGTAGAGAGGATTATACGAAGATACCGAGGACTGATA  
TTCAGTGCAAGAATCGGATTGATACGGTCAAGAAGAAGTATAAGACTGAGAAAGCTAAGATTACTGCTGGAG  
GAGGCCCCAGTAAGTGGCCATTTTATGATAGATTAGATCAATTAATCGGTCCGACTTCGAAGAATGTTGCTTCT  
ACCGCGGGTGTAGCCACCACTGTTAATCCACCTCTACATCAGAACCAGAAAAGTTCCTGTAGGAATTCCTGTAGT  
GAATCGATCTTTAATCCCCTCCAAGCTCATCATAATCATGGTCATCAACAGCAATCAAAGGGGACAAAAGCTC  
AAAAGATCCAATACCACAAGCGGCCTCGAACGACTGATTCCGATTCCCTCAGGCTCCGACAGAGAAACATCCCC  
AACTTCAAGTGATAGTTATCTGCAAGGGAAATTCCGGAGGAAAAATGTTAGGGTTCAGAAGGAGGCGGTGA  
ATCCGAATTTGGGGAAGACAGAGAAGGGAAAGAATGGATCGAGAGAAAAGGGATGGGGAAATGCTGTGAG  
TGAATTAGCACAAGCAATTTTAAAATTTGGTGAAGCGTATGAACAAGCAGAGAGCTCAAAGCTACAGCAAGT  
GGTAGAAATGGAGAAGCAAAGGATGAAATTTGCCAAGGATCTTGAATTGCAAAGAATGCAGTTCTTCATGAA  
GACCCAATTGGAGATCTCGCAGCTTAAACATGGAAGAAGAGTTGTTGCTGCTGGTAATCATCATTGTAGCAAC  
AACAACAACAGTAACAGCGATAGCAGCAACTAGATGATGAGATGCAGAATTAGGTAAGTATTTTTCTCATCTT  
TGCAATGTTAATCTGTATTAGTTTTACTCTTTATCTGTATCCTAATTTATCATTCTCTTATAAATTAAGTGT  
CAACATGTTCAAAGCCTAGTAGTGATTTGTGAGTGAGTCTGTTTTTACCCATTAAATTCATCATCATCTACTCT  
TTAGTTTTCTTCATATTGGAAGAAGAAGGGGAAATAGTTTTCTCTATGTAAACACTGTTAATTAGAGGAAAAC  
GATGAAGTTAAATCCATTTGGAATGAATGACTGTTCTT

>trans\_c\_130 AF262997|Ricinus communis NADP-dependent malic protein mRNA, complete cds;  
nuclear gene for leucoplast product

AAGCTTGCCAGATTTATGGAAGCATCTTCAGGCAACCACAGGGTTTATATATCAGTTTGAGAGAAAAGGGGA  
GAATCCTTGAGGTCTTGCAGGAATTGGCCTGAGAAGAACATTCAAGTCATTGTAGTTACTGATGGGGAGAGAA  
TTTTGGGGCTAGGGGATCTTGATGTACAGGGGATGGGCATACCGGTTGGAAGAACTCTCTTATATACTGCACT  
TGGGGGTGTGCGTCTTCTGCATGCTTGCCCGTGACCATTTGATGTTGGTACAAACAATGAGGAGCTGTTGAAT  
GATGAGTTTTACATTGGGCTCAGGCAGAAGAGGGCTACTGGGCAGGAATATGCTGAAGTATGGATGAATTC  
ATGACTGCGGTCAAACAATGTTATGGTGAGAAGCTCCTCATTCAAGTTCGAAGACTTTGCAACCATATGCATT  
TGACTTGCTAGCAAAAACAGGCCCAACACATCTAGTCTTTAATGATGACATTGAGGGGACAGCTTCGGTGGTA  
CTTGCTGGGCTCATTTAGCTTTAAAGGTTGTTGGCGGATCCTTAGCTGACCATAGGTTTTTATTCCTTGGTGCT  
GGCGAAGCCGGTACCGGAATTGCGGAGCTCATAGCCCTTGAGATATCAAAACAGACCAATGCTCCGTTGGAA  
GAGACACGCAACCCTGTCTGGCTCGTGGAATCCAAGGGGCTGATTGTAAGTTCTAGGAAGGATACTCTCCAAC  
ATTTCAAGAAACCTTGGGCTCATGAACACAAACCTATCAAGAACTCATTGATGCCGTTAAGGAAATCAAGCC  
AACCGTCTTGATTGGAACATCAGGCGTTGGAAGAAGTTCACTAAAGAAGTTGTGGAGACTATGGCTTCAATC  
AATGAGCAACCTATCATCCTCTCTCTTTCAAATCCTACTTCCAATCTGAATGTACTGCTGAAGAAGCGTATAAA  
TGGAGTCAGGGTCGTGCCATTTTTGCGAGCGGCAGCCATTTGACCCCGTTAAATTCAGGGGAAAATGTTTG  
TGCCTGGCCAGGCAACAATGCATACATCTTCTGGATTGGTTGGGGTTAATTATGTCAGGCACAATCCGC  
GTTACGATGACATGCTTCTAGCAGCCTCGGAAGCTTTGGCGTCACAAGTGTCCCAAGAAGATTTGACAAAAG  
GACTCATCTATCCTCCATTTACCAACATCAGAAAGATTTGAGCAGATATTGCTGCCAGTGTGGCTGCAAAAGCT  
TATGAAGTTGGTTGGCCACTCGCCTCCCTCAACCTAAAGATCTGGTGAAATATGCTGAGAGCTGTATGTACAG

TCCTAGCTATCAAATTACCGGTAGATTAGTGTGTTACTCTGCTGTAGCTACATCGCATTGTTGTTTATTTTC  
CAATAATGTTTTTCTATTGTATTATTTCTTTATGTTATGTAAGTTATTTGGTGATTTAGAAATGAGCTATAGTT  
TGCAGTAGGTGTGAAAAAATGAGAAAAAGAAAAAAGTAGAAAAAGAACTCATACAAGTTTTTCATG  
AAATTGAATGGAACTTGTGCTCAAAATCTGAAGGATTCATGACTTGTGTTGAAGTATATTCACAGGTTTCTT  
GTAAAAAAGAAAAAAGAAATTATTGTTGGATTTTCTGTTGAATATAACTAAAGGACTACGAAATTC  
CTTTTCCAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans\_c\_131 AL161550|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 50

TTCAGTGCTTCCCCAACTCCCCACCTTCCCTAAAACCTTTCTTCCAAAAACAATTTCCATGGAATTCAATTCCAA  
ATAAACACTCCATCTTCTTCATTTCTCTCTCCCCATCTCTCTCCCCATCTCTCTCCATTCCCAACCATGGCTTT  
CAATTCCAAATTCCCAAGAAACCCACTGTTTCCCCCTCCCACTGCAACCTCTGCACCACCTTTTCTCGTTGTT  
CTCTTACCGTTCCCACTCTGTTTCTCTCCACACTTCCACCATCTCCGTCTGCTCTCTCTGCTCCACCACTCG  
TCTGAACCTCATGGTTCCGAGATCTTCGCGATGCTCAATTTCTTGAATCGCCTAGCTTTTGATGAAGATAAAC  
CGCCACCTGGTGTCTGAAAATTGCAGTATTCTCTCGTAAATGGCCGATCGGAACAACCCCGGGTGGGATGGA  
GCGGCATGCTCACACGCTTCACACGGCTCTGGTTCGCCGTGGCCATCGCGTTCATGTTTTACCTCACCTGTGT  
CTAACTATGGCGTCGTTCAAGAACCTCTCTTCTGAAACTTCAGTGCCGACCATCCATTTCCATGAAGGCGAACCA  
GGCCGGTGGCGATACAACAAAGCGTGGGAGCAATTCGAAGAAGAAAACACCGAGAACCATTTCGACGTTGC  
TCACTCAGAGAGCGTCGCACTTCTCACTGGTTAGCCAAACAGCTCTCGAATCTCGCAGTTTCTTGGCATGGGA  
TTGCCTTAGAGAGCTTGAATCGGACATATTCAGGACCTAGCTCGCCGGCCGAACGAGCCGGTGTGCGCCAGC  
CTTCAACAAGAATATTCAAGGCGACCTCCCGAAGGTACTGAATGAGATCCGATTCTTCAAAGATTATGCTCACC  
ACGTCGCCATAAGCGAAAGTTGCGGAGAGATGCTTCGAGATATGTACCAAATTCCAAGCAGAAGAGTCCATG  
TAATCGTCAACGGCGTCCATGAAGACGATTTCCGAGAGGATTTCAAATTAGGGCAAGAATTTAGGGCCACAAT  
CGGTATACCTAGAAACGCGAGTCTAGTCTCGGAGTCGCCGGAAGATTAGTGAAAGACAAAGGCCATCCGCT  
ACTTCATGAAGCTTTCTCCATCATCGCAGAGCAACATCCAAACGTCTACCTGGTGGTTCGCCGAGCAGGACCA  
TGGAACAACGGTACAGAGATCTAGGTCCTCAGGTTCTGGTATTAGGATCGATGAGTCCGTGCGAACTCAGA  
GCTTTCTACAATGCGATCGACATCTTCGTGAATCCACGCTCCGGCCACAAGGCCTGGATCTAACTCTGATGGA  
GGCTATGGCGAGCGGAAAGCCGGTAATGGCGTCGAGGTTCCGAGCATAAAGGGTACCATTGTTGTGGACG  
ATGAGTACGGGTTCTGTTGCTCCAAACGTGGAGTCGTTGGTAGAGACGCTGGAAGCGGTGGCTAAAGAAG  
GTTTCAATCGGCTAAGACGGCCGGGGGAAGGCTTGCCGGCGATATGCGACGTCCATGTTCACTGCCCCGAAA  
ATGGCTCTGGCATAAGAGAGGTTATTTCTTTGTATTAAAGATGAAGCATTGTTGTAATTATCCTTAATTTTATTT  
TTATTTCTTTCCAAATCTATCTATGTTGTGATTAACATTTTATTTTATAATTTAGAGAGCTCTTCGCAAAAA  
AAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans\_c\_132 XM\_002890226|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F15H18.11, mRNA

ATAACAAGAAAAAAGTTAACAATAATTTATACTTTCTCGGTTTGATTCTCATCTACTTAAATTAAGAAAA  
GAAAAAGAAAAAGAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG  
CTGTAAAGAAAAACAAGATGTGAGACATCCAGGGCCGTTTGAAGAAAAGAAAGGATGGATGAAACCCGTC  
ATAGGTGTTTCTCTGTTATTGGAGGTGTACTGTTAATGGGTGTAGCCTCTTTCATCTGGCTTTGTTTGCACAA  
AAAGAAGCTTGCTCGTTCTTATACTCCCTCCTCATTTCTCTGCGAAACAATTCCAGTGAACCTTCAACGAAGG  
AAGTTGAGAAAGGAGAAAAATGATATGGGGCTACCTTTGTTCTCTTATGAAGAGCTTGAAAAAGCCACAGACA  
AATTTAATCCAGCCAAAGAACTTGGAGATGGTGGCTTTGGCACTGTCTACTATGGCAAACTCTCAGATGGGCG  
TGAGGTTGCAGTGAAACGATTGTTTGAATAAAGTACCGACGAGTTGAGCATTTCATGAATGAAGTTGAGATC  
CTTACTCGTTTGCGCCACCCACATCTAGTCACCTTTATGGATGCACCTCTCGACTTTGCCGTGAACTCTTGCTG  
GTTTATGAATTCATTCCAAATGGTACTGTTGCCGATCATCTTCATGGCAACCGAGCAAAACCTGGTGAGCTTCC

ATGGCATACAAGGTTGAAGATTGCCATAGACACAGCAAGTGCTCTGGCCTTTCTTCATGCTTCTGAGACTATCC  
ACCGAGATGTTAAAACCAACACATTCTTCTTGACAACAACATAATGTTAAAGTCGCTGATTTGGGACTATCT  
CGCCTTTTTCTACACAAGCCACCCATATTTCAACTGCTCCACAAGGAACCTGGCTACGTTGACCCGGAGTA  
TCACGAATGTTATCAACTTACAAATAAAAGCGATGTCTTCAGCTTTGGAGTAGTATTGGTTGAGCTGATATCTT  
CGAAGCCTGCAGTTGATATCACTAGGCACAGACATGAGATTAACCTTGTTGGACAATGGCAATCAACAAGATTG  
AAACGACGAATTACACGACTTTGTAGACACATCTCTTGGATTTGAAACAGATGAAACAGTGAGAGATATGATA  
TGTGCAGTTGCAGAGTTGGCATTTCGATGCTTACAAAGTGTTGAAGGACACAAGACCGTCGATGTTGGAAGCT  
CTGGAAATTCTAAAGGACATAGAGAGTCGAAGTAGTGGCAAAGGAAAAGAAGAAGACATAGGCATTTTACA  
CGAAGACGATGTGCTGCTGAAGGATGGCTTAGTTCCAGAGTCTCCAGATTCTGTTGTCGTGCCTTGGATGAGC  
AAATCATCAACACCAAATGGCAGTAGCTAAGTTTTCTTTGTGGGTTTCATGGTAAAGTAGATGTTAACTTTA  
ATAGCACTGCCTAATCCTTTTTGTTCTTTCACCCATTATTATCAGCTTTCTTAGCCCCCTTTTAGGTTAATCAGA  
TGTACATATTTGAGATTGAATGTAAAGCTCGCGTTATCATCTCCATCCACTTCTCCCGCTGCTACTGCTCAT  
GAAAAAAGTAAGATAAGAAAAATACGAAGGAAAAATAAATATGTTGATTGTATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_133 AB294395|Cyclamen persicum CpYcy3-12 gene for tetrahydroxychalcone 2'-  
glucosyltransferase, complete cds

ACTTATTTATATTCAAAAAGATAATAACAACCACCACCAATGGAGTTTTCTACAACATCCATTGAGAAGAAGTA  
GAAGAAGGAAGGAACCACTGATTCACTCCATCCTCCCAACATGCCGACGGCGGAACCTGGTTTTCGTCCCCA  
CCTCGGGAGTGGGGCCACCTCGTCTCCACCATCAAATTCATCACTCAATTCCTTAACCGCGACCTCGATTACCC  
GCCACCATTCTCGTCTTCAAATACCCATTGCAACCCACCACCACCGACGGAATCTCCGATCCTCCGCCGTCTAAC  
CCCGCCTTCACTCCGACCACGCCGCGTATTGGATCATCCATCTACCCCTTCCATCCGATCCTCCTTCTCCCAA  
ATCTTATCCAAGTCCTTGAACATTACTACTCTCTATATCGCGAGCTACAAGACCTGGTTAAAAACGCCATA  
ATTGACCTTGCCGTTCCGGTTGTTGGGTTGGTTGTTGATCTTTCTGTACTCCCATGATCGATGTGGGTAATGA  
ACTTAGCATCAATACGTACGTCTTCTTCACTTCCTGTGCTGGATTTCTCGGGTCCATGTTTCATCTTGAACCCG  
CGATCGATGTGTGCGGTGTGGAATTCGACAAATCGGGAGCTGATATGATAATCCGGGTTACGCTAACCCAGTT  
CCGACGAGTGTTTTGCCTCGTTATTGTTTTAACCGATACGGATTGAGTCCATGGCGATTACGCTCGAAAAGTT  
CAAGGAAGCGAAAGGAATCATCGTCAATACCTTCGCTGAGCTTGAACCTTATGCTTTCAGTTCATCCTCTGAAG  
ACGGAATCCCTCCGATTTATCCGGTGGGGCCGGTGCTGGACCTGGAAAGCGTAAATAGGCCAACACCAAATG  
AAAATCAGAGCAGTGAAATTAGGGTTTGGCTCGATAATCAGCCACCGTCATCAGTGGTGTCTTGTGTTTTGG  
TAGTCGGGGATGTTTCAGCCAACCCCAAGTAGTGAAATAGCAAACGGTCTTGAAAGTAGCGGAGTGAGGTT  
CCTCTGGTCTTTCGCGCGGCCACCGCCGCCGACAAGAAATTTGAATCACCATCGGATTATGCCGATCCTGAC  
GATGTCTTGCCGAAGGGATTCCAGGAGAGGGTTAAAGGGAAAGGAAAAGTCTGTGGGTGGGTTCCGGCTAGT  
AGATGTTTTAGCCCAAAAGCCATTGGAGGCTTCGTTTCACTGCGGATGGAACCTGTTTTGAAAGCATT  
GGCATGCGGTGTGCTCGTGACTTGCCGCGAGTATGCTGAGCAACAGTTAAACGCTTTCAGCTGGTTAGAG  
AATTAGGAATAGCAGTGGAGTTGACGATGGAATACCACAGGGAACTGAATCCCTGGTGACTGCAGATCAGA  
TTGAGAGAGCCGTTATCGTTTGATGGACGGCGATGAAGCAGGGGAGGTGAGGAAGAGAATGGAAGAAATT  
AGTAAGAAAAGTAGAGAAGCTCTTGTCCCGGTGGTTCCTTACACTTCATTTGGGAATTTGATTGATGATAT  
GTTGGCTAGTTCTGTTTAGTATCTTATATCTTATTATCTGATTCTGATCTGATATCTATGTTTTGAGTCTGCTTTT  
TCATGATAATCTATCAATCTATGGAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_134 NM\_114784|Arabidopsis thaliana DMS3 (DEFECTIVE IN MERISTEM SILENCING 3)  
(DMS3) mRNA, complete cds

AGTTGTAACAAAAAATATGAACTAAAAATTTGTTAAGGAAAGAAAAAGACAAAGGGAAAAGGAAAAGAA  
TAGCAAAGAGGGGAAAGAGAGTGAGAAAGGAATTGGCATCAAATCGAATTGGGCGTTTTGACCTTCGACTGC  
GACACAACCAGACCGGAGCTACCAGGTGGAGACTGGCTGCCAGAAGCCGGTCGCCGGTGGGTGGAGGAAG  
AACACACTCGAACAACTTCTTTCTCTTAATTCTCACCGCCATATTCTTCCATTCTTCAATTCTCCTCTCATCTCA  
CCTCCCCGGCCATGCTTCACCAAAACAATATGCAGCTGGCTATTTCGGATACCGTCATCGCCTGCCCAAGATTCT  
CCACAGAATATTCAAGTCGATCAAAGTGACAAAAATGGGAGCTACCCACATGCCGAATACATCTTCAACTATT  
CCAAGAACTTGAAGAGGATCTACACATGTTTGAATGAAAATAAAGCAGCACGAAGACAACATTAAATTTCT  
TAAGACTCAGAAAAACAATTAGATGAATCAATTCTCGACTTGCAAGTTATTCTAGGCAAGTATCATTCTTCTG  
GCACACCTGTGGGGGAAAACGAGGTTCAATCCCATTTCTCAAAATGATGAGGAAACAATGGAACAGATTATGC  
GGCAGGAGAAATCTGCTGCTAGCATTATATGTAAATTGAGCACACATCATGGTCTTCAGGCTTACAACCTCAT  
GTTGACAAAGGACGTATTGGGTATTGTTGCTCGGCTTGAAAAGTTGACGATGATAATCTTAGCAGATTGCTC  
TCTGAGTACTTGGGAATGGAACTATGCTGGCAATTGTTTGTAGAACATATGAGGGAGTGAAGGTGCTAGAA  
ACATATGACAAGGAAGGTTGCATAAACAAAAGTCTTGGCCTTCATGGTCTTGGTGCTTCAATTGGAAGGAACT  
TGGATGGCCGGTTTCTCGTAATTTGTCTTGAACACTTGAGACCATATGCTGGCGACTTTATTGCCAATGATCCA  
CAAAGGAGGCTTGACCTTCTAAAGCCAAGATTACCTAATGGGGAGTGTCCACCTGGCTTTCTAGGCTTTGCTG  
TTACATGATCAATATTGATAGCACACACTTGTTTTGCCTCGCAGCCAATGGATATGGTCTCAGGGAAACCCTG  
TTCTATTCTCTATTTTCTCGTCTTCAAGTATATAAAACCAGAGCAGACATGCTGCAAGCTCTCCCTTGATTAGC  
GATGGTGAGTATCTTAGATGGAGGAATGATTAAGGCTACTGGTGTTTTTTGCTTGGGCAATCAGGAAGATT  
TCAGTTGAGATTCCCAAAGGCCTCAATGAAATCAAGCCCGCTGAAAATTACATTGAATCTGAGAGGCAGATT  
AAAGGACTCAAGTGGAAAAAGGAAAAGATGATTAAGATATAAGGAGAGAACAAGCGTTACTGGACAATACG  
AAGGTCAATTTTGACAGGAAAAAGGCGGAGTTTCTAAAGTTTCTGACTGAGAGCTCATCATATGCAGCTCAGC  
AACAACCTCAGCCAAGCCAGAGAGGTTGACACCACGATGAAGTTTGAATAGAGAACCTAGTCTTCCAGTG  
AACAACCTGGGGGAGGAACTACTGTGAGAGCAGTCAGCTGCAATATTTAACTCTGCAAAAATGTATAAGCTTC  
TTATCGCATTTTTGAGGTAAATATCTTATGTTTTAGCTG

>trans\_c\_135 AY104386|Zea mays PCO096835 mRNA sequence

AGGACTCGCATACCTTGAGAAGTGTGTGATTAAGAAGAAGAAAACTCATACAATACATACACATAAACTCATC  
TCTCTCTCTCTTCATCTATAACAATGTCGTTCTCCCTAAGTTTGAGGATTCCAGAACCACGCAGAAGGAA  
GTACCTTCAATTCCTTCTGATGGTTTTCTAGGGGCGTACTACAATACTCTTCTGATCAAGCTTTGACACCGTT  
TACAAAGTTTCGAGATTGTGCCCAGACAAGGATGGTAAATATTGGCACATAAAATGTTGCTACAATGACAAGTAC  
TTGGCCTCTTCCGACGACCACAATCGCTTTGTTACTCCCTTCGTTAGCAAGCCGAGTGAAAACGAATCCTCAAG  
GCCATGCACAATGTTTAATATAATGTCTGGTCCTACTACAGGGACTTACTATTTGTTGATGTCTCGCTACAAAC  
CTATGCACGTCGATGTACCAGTAGCAGAATTCATCCCAATGTTCTCACAACCTAGGTATAGACGTGATGAAAAC  
CGACACGACGACAAATTAGTTTTGTTAGTCGACTTTGAAAACATCATCCGACTCCCCAAATACCTCTCCTTTAA  
GAACAATGACAAGTTTCTCGCTGCCCATACGTATTATAATTCCCATATTTGCAGTTCAATGCAACCGACATTG  
GAAACCTCTGGTGAGTCACGAAATTTTAAAGTCGGCGATGGAAGTGTAGAATCAAGAATGAATCTACCAA  
GAAGTTTTGGAGACGTGACCCAACTGGATCCTGGCTGACTCAAACGACCAGACAGCGCACGACAAGAACAC  
CTTGTTCTGGCCGGTCAAGATTGCTAAAGATAAAGTCGCGCTTCGAAACGTTGCTAATGGCAGGTTGTTACA  
AGATACACTGGTGATGGTAAGGTGGATTTTCTGAACGCTAGTAGTGAACTATCACTAAGCAGGCAGAATTG  
GAGATCTGTGAGCCAATTGTTTCAAGGGAACCTGCGACTTTAAGTACCGGACTATGGATGCAAAGATATACG  
ACGAACAAGTACTAACAATGGCAACAGAGGAGGCTGTCAACACAAGCTCGAAAGAGACGGTTATGACTGTAA  
GTTTAAAGTACATGGAAGAAAAAACTAGAGCTTGGGAATCTTCGTTGACCATAGGTGTGGGTATAGAGGCTT  
CCATCAAAGCCGGGATTCTGAAATTTTGAAGGTGAGATTAAAACCACTTATAGTTTTGAAGGGAATTACAC  
ATGGGGAGAACTATTCAAGAACTAGAGAAGTAACGGCAACATATTCTGTTCTGTACCACCAACACAAG  
GATGAAAGTTACTCTTCTGCAACTAAGGCCAAATGTGATATTCCGTTTTCATATACGCAACGAGATCTTCTCC

GAAACGGAAGAAGAGTTGAGACAAAGTATGATGATGGTATTTTTAAGGGAGTCTATACCCTTAAGTTTGATTA  
TCAAAACAAGCCTTACCCACTCCATTCTAAATAGTTCGTCATCACTATACCTATGTCATCTCGTGGTTGCTACCA  
CTATACCAACTATAGCCATCATCTACTATGTCATCTTGTGTGTGCTTCTTAATTTTTCTTTTACTTTTCAGTGTGG  
TAGCTTTATCTCTCGTCTTGGATACAGCTTTAAATAAATAAAAAATGTCTATCTTATTACTATGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_136 AY108252|Zea mays PC0090236 mRNA sequence

GTTGTCCTTTGGCTTCAAGCTTTTAGGCCTTGCTTGGTTCTCCGACCTTATAGCATTTTCATCTCCTCCTGCTTGG  
CCCTTTAGCAAAAGAGTTGAAGAATTATCCACAGTGCCTATACAAGTTTCTATTGAATGTGTTAGTGCTTTGT  
TCTTTCTCCAACCCATTGTTGGGTTCTACTATTATGTGGTTTTTGTGTTCTGAAACTATCTTCAATTATCGTAAT  
CTGTGTTAGCATAATCTTAAGAAATGATTTCTACAAAATCTGAGTCTGATGTTACCAGTTTGGCGCCATCATCG  
CCTTCGAGGTCACCAAAGCGCCCAACATACTATGTTGAGAGCCCTTCAAGATGTTCTAACGATGGGGATAAAT  
CTTCCTCAATGCATACCACTCCAATCTATAACAACAGCCCAATTGAGTCACCTTCACACCCGTCGCTTGGCCGG  
CATTCGAGAACTCATCGGCGAGCCGATTTTCGGGCATTTTCCGGTCATCTTCTGGCAGAAAAGGAAGTAAGA  
AGCAGATTAGTAATGAAAAAGGATGGCCTGAGTGTAATGTAATCATGGAAGAAGGACCTTATGATGACCTTG  
AAGACAAAGCTCTGTCAAGACGTATTCAAGTTCTAATTGCTCTCCTGAGTTTCATTGCTTGTTCACACTTTTCT  
GCCTTATCATTGTTGGGAGCGAGCAGGCCTTTCAAGGCTCAGATTTCTGTCAAGAGCTTGGCTGTGCACAATTT  
TTACGTTGGAGAAGGGTCAGATTCCACTGGGGTTCCTACCAAGTTGCTGACATTGAATAGCACATTGAGATTA  
AGTGATACAACCTGCTACAATATTTGGAATTCATGTTACCTCCACACCAATTGATCTCATTATTAGAGATT  
GTTGTGGCCTCTGGTCAGTTGAAGAAATATTACCAACCAAGAAACAGTCACCGGAGAGTATCTGTCAACTCGG  
AGGGAATAAAGTTTCTATGTATGGAGCTGCATCAACTTTGACTGTTCCCCCAACAAGTAGCCCGGTTCCAAT  
GACATTGTCGTTCAAAATCCGGTCACGAGGATACGTGGTAGGGCAGCTAGTAAAAACAACATATAAAGCA  
AATCTCTTGCTGTGGGTATTGATTCTACCAGCAACAAAGCCATCGTGTTCAGAAGAATTCTGCACATATG  
AGTGACTGTTCACTGGAGTCCTAAATTCGTATCGATTTGATTAGTCTGTCTCTCAATGAATTTGATAAGAA  
ATTTTGTCTGCAGATTGTTTTTTTTGTTTCGTTTGTGCAGAGATACCTCAGTATGAATAAAGAGTGGTTGCCTTG  
TAAAGATCCATCTTTTTTATTCTGTTCAAGAAGTGTTACTAACTGTGAAGATTCGTTCTCCTGGCAATCATTTCT  
TGGATGGCGTCAAATGACTAACAATAACAGGAACTTCAAATGAAAGCACACTTAAATTTCAATTTACAGAA  
GATCAAGTTTTGGAAGAGAACTGATCAAGAATTCTACACCGAAGGTGGCCTTAAATGTATTTTTATCTGAAGA  
ATAGAGAATATATGGTAAAGTTATGTCAAGATGAAGCTATGAATATGGGAATACTTGTGTTTATGATGTGAAT  
TAACCAAAGGAACTATGACCAATTTAGTGCTATTGATTTTTCAATTGATTTCTTGGTTCACAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_137 AL161593|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 89

AATTTAATGGCGTTTCCACTTTCCACCCATAATTCCGACCAACTTTCCACAAGTACTCCTTACCACCTCTTCT  
TTTTCATCTCAAGATTCTCTCTACAGACCCCTTTTCTTTTCTTCTCTGTATTGGGCCAGATTTTCTACACCCTAC  
TACAATCTCCCTCTAGAAGAACAAACACTTTGATTCAACACACAGGTTTTTAAATGGCTGGAAAAGGGAATG  
GAAGTTTAGATTGCACACATGCTTCCAATCCCTACCATGTTTGCTCTGAATACTGTTTGCAGAAAGGGTGAA  
AGCAAGAAGCAGTTAGTTAGGAAGGATTCAGACGATAGTGCTCGGAAGTTTAGTAGCGAACGTAAAAAGAC  
AGTTCGTTTCAGATTGCACTAGGCGATCTAATCCTTACCATAACTGTGATGAATTCTGCTCCAACATGACCACTC  
AATCTGGTAGGCCAAAAGCAGAAAGGGATTGAGCTGTAGGATCAGGTGGAGCAAGGAAGGATTCACTGCCA  
AAGTCGCCCCGAAGACTCAACCAACCTTTGGCAAGTGCTGTTTCATCCAAACCTCAAGTAATAAATCATGTGT  
TCCCCAGAGAGTTCTAAAACATGTGTTTCCCCAGAGGAAAGAACTCGCTTTGTTGAAGACTCTTTGACGATTG  
AGGAGCAAAATAAGTTCTTAAGTTGATTCTAGTTTCTGCAATGCCCTGAAGGTTGAGGCTAATAATCTCCA  
GAAGCTCCACAAAAGTACACTTACTCAATTGCTTCTGTGAAATCAAAGAACAATACTACAAGGTCCGAA

ATTTCTGAATTAGTACAAGATGAAGATCCTTCAGTTCATGAGGAGGAAGAAGGTAATCATAAAACTACTTCAC  
CTAATATCCCTAGCTTTCTTTCCCCACCATGGCTCCTAATCATAAAGGAAGTGACGAGAACGACATTAAGTCT  
GTATCATCAGAGCCCTATGTACCTGTGGGGAAGTACTATGTTAAAGCAAGTTTAGCTCCATTCTGCAATCGGT  
CTTCAATAAGCATGGAGATATAGCAGCTTCATGTAAATTGGAATCAATTTGATTCTGTTCTTATTATCTGGAGT  
GTGTGTGCTATATAATTCATGAATTGCAGCGCACAGAATTCTCTCAGAAGGTGTCTAAGTCCAAAGTTAAAGA  
ACTCTTGGCCATCCTCAACGATGTAGTGTCTTCAGAAATGAATGTTGGTTGGCTGCATAGTATACTAAATGATA  
TTGCAGAAGCTGTTGAATCCTGTGGCCAACAATGGACTCTGGAGGTGGCCAAGGCGAATTGTGACCACGAGT  
TGGAGCTCATCAAGAATGAACTCGAACTCGAACAAAGGATTTGACAAGAAAAGAAAAGGAAATGAACGAT  
GCAAAGGAAAAAGTTGCTGATACCAGAGCTCGCTTGAGTGAACCTTGAGTCCAAATATTTACAGCTGAACAAG  
GAGATTTTCATCTCTGCAGTTAAAGGGTAATGGGTAAAATACAATGACTTGACTGTTGATCTTTTGTAAGTTT  
GTGGGACTGGTTTATGATTTGCTGTCATTTAGAGATCATATGAAACCTCCTACGAGGCAAACCTTTTAGGCAAG  
CTAGAACAGAAATACTATCATACAAAAAGATGTAATGAATAAAAAGTTTGTAGCTTTTCATGGCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_138 AY082522|Vitis vinifera Aux/IAA protein mRNA, complete cds

ACATCGGACACCAAAAGGCTTTTGTACTTTGTGCCAAATGGAGGGTCCTTAGCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT  
ACCTTCAATTTTCTCTCTGCCTTGTACTGCTAAGAATCAAAACACTTCTTCAATCTCTACTACTTCTGTTTAA  
CTCACTGATCTTCAGATTTATTAGATATAAAATCCGGGGCTTTTTCTTTCTGGAATTTTGATGTCTCCACCATTA  
CTTGATGTTGGGGAGGTGGAGGAAAGTCGCAGCAATGTCACTCTGTTGGCTTCCTCAAACCTCGATGGAGAGT  
GTCAGTCCCAACAATTTGGGATTTGAAGAGCGTAATTACATGGGATTATCTGATTCTTCTTCAGAGGACAGCT  
GTATGACTGCCACAAAATCCGATGGGAACAAACCTCGCTGAATCTTAAGGCTACAGAACTGAGGCTTGGTCT  
CCCTGGATCTGAATCCCCCTCTCTTTCGAATTCGGATAATTGCTTGCGTAGCTCTTCTCAACTTGATGAAAAACC  
ACTATTTCTTTGCACCCATCAAGTGATGGTCATTACTCTTCCCCACAAAAGACTGTTGTCTCAGGCAACAAAA  
GGGGGTTTTCTGATGCTATGAACGAATTCTCAGAGGAAAAATATCACGCTAACATAGGTTTGAAAGCTGGTTC  
TTTGCTAGAGAACCCTTGAAGTCAAATGGGGAAAGTGAAAGAGCCAACTACACAAAAGGCTGTACAAGAGA  
GGCCTCAAGAAAATAGTGAATCTAGACCATCTCATAATGAACTGCTAATAACAACACCAGCGCACCTGTTTCC  
AAGGCACAGGTTGTGGGTTGGCCGCCATAAGATCTTTCAGGAAGAACACATTGGCTACAACCTCAAAGAAC  
AACGATGAAGTTGATGGAAAGGCAATGGCTGGGGCACTCTTATCAAAGTCAGCATGGATGGTGTCTCCTTATC  
TTAGGAAGGTAGATCTGAGGAATTACTCTGCCTATCAGGAGCTGTCTTCTGCCCTTGAGAAGATGTTGAGCTG  
TTTCACTATAGGTCAATATGGAGCTCATGGAGCTCTGGGCATGGAGAAAATGAGTGAGAGCAAGCTGAAAGA  
TCTTCTTCATGGCTCAGAATATGTTCTAACATATGAGGATAAAGATGGTGACTGGATGCTCGTTGGTGATGTCC  
CTTGGGAGATGTTTCATCGACTCTTGTAAAGAGGCTGAGGATTATGAAGAGCTCAGATGCAATTGGACTGGCTCC  
TAGGGCAGTGGAGAAAGTGGCGAAACAGGAGCTAGCTAATAACTGCAATGCCACGGTTGATGCTATCCATCCA  
AATGTTGGAGCAAGATTGATCTAACTAAAAGTACGTATATGTGGCTTTGGAAGGTGGTTTCGAGGAACGAA  
AGTGTTGGATGGGATAGGTTCTTGTGTGCATCCCTTGTACCTTCTGTCCTTTTTTTCTTTCTTTTAATTATTAT  
GTTTATGTTACTTTGATGGTGTCTAAGCAGTTATCTAGTTTGTGAACTGAACTATTTAAGAATTAATGAGCAAA  
TCTGCAGATTTGTGGACAAGTCCCTGTCCCCTCTTTCAGGACTCCTAAAAGTTTGTAAGTTATTGGTTGTCA  
AACTGTGTTGTTTTGAATGTTCTATAATATTGTAACTTTCTGTCTATTTGACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_139 AY360221|Ricinus communis actin (ACT) mRNA, complete cds

TCCAGCCCCTCGTCTGTGAATGGAAGTGAAGGCTGGTTTTGCTGGTGATGATGCTCCTAGGGCTG  
TTTTCCCCAGTATTGTTGGTCGTCCCCGACATACTGGTGTCATGGTTGGGATGGGCCAAAAAGATGCCTATGTT  
GGGGATGAAGCTCAGTCCAAAAGAGGTATTCTTACCTTGAAATATCCCATTGAGCATGGTATTGTCAGCAACT

GGGATGATATGGAAAAGATTTGGCATCACACGTTCTACAATGAGCTTCGTGTTGCTCCCGAAGAACACCCTGT  
GCTTCTGACTGAGGCGCCACTCAACCCAAAGGCTAACAGAGAAAAGATGACTCAAATCATGTTTGAGACATTC  
AATGTGCCTGCTATGTATGTTGCCATCCAGGCCGTTCTGTCCCTCTATGCTAGTGGACGTACCACTGGTATTGT  
GCTGGATTCTGGTGATGGTGTGAGTCACACTGTTCCCATCTATGAGGGTTATGCCCTTCCTCATGCCATTCTCC  
GTTTGACCTTGCTGGTCGTGACCTTACTGATGCTCTCATGAAGATTCTCACTGAAAGAGGTTACATGTTCCACC  
ACCACTGCCGAACGGGAAATTGTCCGTGACATGAAAGAGAAGCTGGCATATGTTGCTCTTGACTACGAACAA  
GAACTTGAGACTGCAAAGAGCAGTTCCTCTATTGAGAAGAACTACGAACCTTCCTGATGGACAAGTCATCACCA  
TCGGAGCTGAGAGATTCCGTTGCCAGAAGTTCTATTCCAGCCATCTCTCATTGGTATGGAAGCTGCAGGAAT  
CCACGAACTACTTACAACCTCCATCATGAAGTGTGACGTAGATATCAGAAAGGACCTTTACGGAAACATCGTC  
CTCAGTGGTGGTTCAACCATGTTCCCTGGTATTGCAGACAGGATGAGCAAGGAAATCACAGCCCTTGCTCCCA  
GCAGCATGAAGATTAAGGTTGTTGCACCACCTGAAAGGAAATACAGTGTTTGGATTGGAGGGTCTATTCTTGC  
ATCTCTAAGTACCTTCAGCAGATGTGGATCTCAAAGGTGAATATGACGAATCTGGCCCATCGATCGTCCAC  
AGGAAGTGCTTCTAAGCTCTATCAATTTCTTTGATGATGAAGAAGATGATGATGATGGTGAGTTATTTCCCTTT  
AGTTGGCTTTTTTGTGTCATGTAATGTTGAACTGAGATTGGTTGGCGTCAAAGAAGAAAAAAGGGGGGTCTG  
TTCTATTGAATTGAAGGGATTGTGTACATTTTGTGTATCTCAAATGGCATTGATTCTCCAATCATACGGGTG  
TTGGTGGCCTGTTGGAAGCTTACAAATAGCTGTGGTGTGACCCTTCAGATTTGGGCAAAAAAGGATTCTGTTT  
TATTCTGTTCTGTATCTCTGTGGTTCAACCATTTCTTTTATTTAGGGATATTTGTAGCAGAAGAGTGATTGGT  
GATGCTTTTCTAAATATATATTTTTTCTTCTTTCAATTTTCTTTTCTTTTGAAGGTTTTTCTTCTTTCTTCTC  
CTGAGAACATTAATGTTAATATTTATTTGTATGCGAAATATTAGCGTCAGTTTTTCAGTCATAAACTTGGTATGG  
AATTTTAAATCTTAAATTCTCTGTGGCCTTTTTGAGCTTTTCAGAGAAGTCTCTCTTACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_140 NM\_119613|Arabidopsis thaliana catalytic/ cation binding / hydrolase, hydrolyzing  
O-glycosyl compounds (AT4G34480) mRNA, complete cds

AACATATCGCACCCCTGCAACTCCATCCCCTATGGCTTCCACTCTTCTTCCCTCTACTGTTTTCGTTTTCTTTAGCTT  
TCTACTGGCCACTGACATAGTTTATTCGCAATCGTTCATCGGAATAAACTACGGTCAAGTCGCCGATAACCTTC  
CGCTCCGTCAGCGACGGCGAAGCTACTTCAGTCCACTTCAATCGAGAAAGTTCGACTGTACGGCGCTGATCC  
GGCTATCATCAAAGCCCTAGCAAATACAGGGATCGGAATTGTAATTGGTGCTGCAAACGGTGACATTCCAGCC  
CTAGCGGCCGACCCGAATTTGCGGAAAAATTGGGTAAACGCCAATGTAGCTCCCTTCCATCCGGCGAGTAAAA  
TCATTCTATCACGGTCGGAACGAGGTGATAACCTCCAACCAAGAAAATCTAATGAACCAACTGGTGCCGGC  
GATTGAGAATATTCAAACGCGCTCAACTCGATGTCTCTAGGGGATATTAAGGTTTCCACTGTCCATTCCATGG  
CGGTGCTTCGACAATCGGAGCCGCCGTCGTCGGGGATGTTCCACCCGAACCTACATGACCGTGTGTAAGGAGC  
TATTGGAGTTCAACAATGCCACTGGATCGCCATTACGATTAACCCATACCCGTACTTCGCTTATCGAAGCGAT  
CCACGGCCGAGACTTTGGCCTTCTGTCTTTTCAGCCCAACGCCGGGCGGCTCGACACGAACACCAATATCA  
AGTACATGAACATGTTGACGCACAGGTGGACGCCATAAGATCTGCATTGAACTCCATGGGGTTCAAGAATGT  
AGAGATTGTGGTGGCAGAGACGGGGTGGCCGTACAAAGGGGACAACGACGAAGTTGGTCCAAGTCTTGAAA  
ATGCTAAGGCATTCAATGGTAATCTGATTGCGCACCTTCGTTCCATGGTACGGTACGCCATTGATGCCGGGGAA  
ATCAGTTGATACGTATCTCTTTGCACTTTACGACGAAGATTGGAAGCCTGGCCCTGGTTCTGAAAGAGCTTTTG  
GATTGTTCAAGCCTGATCTTACAATGACCTATGACGTTGGTCTTTCCAAAAATGGCCAGAGCACTCCAAGTAGT  
CCTAAAACAACACCAGTGACGACTCCGTCGTCCCCAGCGAACAACCCATCAACCAAAGCACCAACAAGTCCAA  
AGCCGAAGGCAGGAGGAGGCTCATGGTGCTTGCCAAAGGGTGGCGTATCAGACGCCAGCTTCAAGCCAATT  
TGGACTATGCCTGTGGAAGAGGGCTGGATTGCAGCGGATTCAACCTGGTGGAGCATGTTTTGAGCCAAACA  
CCATAGCCTCACATGCCGCTACGCCATGAACCTCTTCTTCCAAAACGGCGGCCGTGATCCATGGACCTGTGAC  
TTCTCAAATCTGCCACACTCTCTCTAACAACCCAAGCTACGATGGCTGCAATTATCCTGGTGGGAGCACGTG  
ATGAGATTAGAATGCAGTTGGATAATTGGATGTAAATTTCTGGAAAAGAGAGGCTTCCAATCTTCATCAAGAT

GAAGATCCATTTTCCACCTTCCAACTCCATTAACATATGTATATTTTCTTGGTTTTTTTTTTTTATTTTAAAA  
TATATATTTTATCGTTTTTCCAGCTACAAGGTTGTTAGTAAATTGTAAGTTTGTGTCTCAATGTTTAAATTAGTG  
TTTTTTTTTTTATAAAAAT

>trans\_c\_141 AY263347|Glycine max protein kinase Pti1 (Pti1) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTGCTTTTGTTCTTTTGCTTCGCCTTGAATCGAAATCCAAAATACTCAAAATCCTTCCAGAGA  
AAAAGAAAAAGAAAAAACCCCATCCATTCTCATCTGTTTCTTTGTTGTTCTTTGCTTCTTCTCTAATTCATCCA  
GCCCATAACCATCTACAGGCTTATGCCCTCCTCTTGGTTACTTATTACATCCAGATAACAATACTGAGGATTAT  
CAATATCGAAGGAAGAAAGTGAGGATGCGCAAGTGCGCTTTGTTGTTTTGTCAAGTTGAAGAGACTAATCAAT  
CAACTGAAAAATGAACACCTGAAAAACCCAGTAATTCGGAGATGGTCACCTAAGGGACTCAAAAGTGCCAG  
CTCTTGTAAGGCTGAGGCACAGAAGGCAGCACTACCAATTGAAGTGCCTACGCTCTCCCGGGAAGAACTGA  
AAGAAAAAACTGATAATTCGGGTCCAAAGCGTTGATTGGAGAAGGTTCTTATGGTAGAGTTTATTATGCAAC  
CTTGAATAATGGGAAAAATGTGGCTGTAAAGAAGCTTGATGTTTCTTCTGAGCCTGACAGTAACGTTGAGTTT  
TTGACTCAGGTTTCTACAGTATCAAGATTGAAACATGAAAATCTTGTTGAATTGCTTGGGTATTGTGTTGAAGG  
AAATCTTCGTGTCTTGGCTTACGAATATGCAACCATGGGATCTTGCATGATGTCTTACATGGAAAGAAGGGA  
GTACAAGGAGCACAACCTGGTCCAGTGCTTGATTGGATGCAGCGGGTGAGAATTGCAGTTGATTAGCCAAA  
GGGCTGGAGTACTTGATGAAAAGGTCCAACCTGCAATTATACACCGAGATATCAGGTCCAGCAATGTGCTAC  
TCTTCGAGGATTTTAAAGCTAAGGTAGCTGATTTTAACCTCTCCAACCAAGCCCCTGATATGGCCGCCCGTCTT  
CATTCAACTCGAGTTTTGGGAACCTTCGGTTACCATGCTCCAGAATACGCAATGACTGGACAGTTGACTCAAAA  
GAGTGATGTATATAGCTTTGGTGTAGTTCTACTTGAGCTTTGACTGGTAGGAAACCTGTGATCACACGATG  
CCTCACGGACAGCAAAGTTTAGTCACCTGGGCTACCCCAAGGCTAAGCGAGGACAAAGTAAACAATGTGTA  
GATCCGAGACTTAAGGGAGAATACCCTCCTAAAGGAGTTGCAAAGCTAGCAGCTGTGGCCGCATTGTGCGTG  
CAGTATGAAGCTGAGTTCCGACCAAATATGAGCATCGTTGTGAAGGCCCTCCAACCTCTATTGAAGCCCCCG  
CACCTACAGGTCCCCCTGCACCAGAGTCTTGACGGCAATGTGTACATGGTTTCATCACCCCTCCGAGTTTGAAT  
TCTTGCAAATGCGTCAAATAGTTTCTCTCTAATATGCAGCAACGATATTTGGTTGGTTAACTATATGCATATCCC  
TTTTATTTCAATTGTATAAATGGTGAGTTTGGATGCGGTAGCATTGCGGTATGGGGTCCGAGTGTCTGGATGT  
GTGAAGAAGTATCTGTTTCTGAATAATAATGATGGAGTTTTCCCCCATTGACATTTTATTCTGCCTTCTCAAAA  
CTGCAGAGTGCAGATTTACCTGAGGCTAATTAAGTCTTTTTATTCTCTTATTTTTGTTCTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_142 FJ959041|Phaseolus vulgaris RackK1 gene, promoter region and complete cds

ATCGCTCACAACCTTCAACACAGCCAAGGCGTAGAACCAAAGCACACCTCAAAAAGAAAAATGGCGGAAGG  
GCTTGTTCTGCGAGGCACAATGAGGGCTCACACCGACATGGTGACGGCCATCGCCACTCCCATCGACAATTCC  
GATATGATTGTCACCTCTTCCCGTGACAAATCCATCATCTTGTTGGCGTCTTACCAAGGAAGAGAAGACCTACG  
GTGTTCTCAACGAAGGCTCAATGGTCACTCTCACTTTGTTCAAGATGTTGTTCTCTCATCCGACGGTCAGTTC  
GCCCTTTCTGGTTCCTGGGACGGCGAACTCCGCCTCTGGGACCTGGCTACCGGTCTTACATCCCGTCGATTCTG  
CGGACATTCCAAAGATGTTCTCTCCGTCGCCTTCTCCATCGACAATCGCCAGATCGTCTCGGCCTCTCGTGACC  
GAACCATCAAGCTATGGAATACTCTCGGTGAGTGCAAGTACACAATCCAGGACGGAGACGCTCACTCTGACT  
GGGTTAGCTGCGTTAGATTAGTCTAACACCTCCAGCCAATATTGTTTCGGCGTCTTGGGACAAGACCGTT  
AAGGTCTGGAACCTGACCAATTGCAAGTTGAGAGTTACTCTCGCTGGTCACGCTGGTTATGTTAACACGGTGG  
CTGTTTCGCCGATGGTTCCCTGTGCGCTAGCGGAGGCAAAGACGGAGTGATTTTGCTATGGGATTTGGCTG  
AGGGTAAGAGGCTTTATTCATTGGATGCCGGATCGATTATTCATGCTCTTTGTTTCAGCCCCAACAGGTAAGG  
CTCTGTGCTGCAACTGAGAGCAGTATTAAGATCTGGGATTTGGAGAGCAAAAGCATTGTTGAGGATTTGAAA  
GTCGATTTGAAAACCGAGGCAGAGAAAACCGATGACACCCACGCTGCCACTGCCAACAAGATTAAGGTTATTT



ACTGCACAAGTTTGAGCTGGAGCGCGGATGGGAGCACATTGTTTGGTGGTTACACAGATGGGGTGGTCAGA  
GTTTGGGGAATTGGTCGTTACTAGAAATATCCATTATGATTATTTGCAGACGCACTTTTTTGTCTATTTTGAG  
AAGAAGAACTTGTTAAACCTTAATCCTTACAAGTATCAGTGTTTAGAATTTCTTTAGGGTTTTGCTGCGAGT  
GATGAATGAATCATTTGGTTTTAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTCAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGCCGGGCCCCATTC  
CCCCTAAGGGGGTCTAAATTCCCCCCCCCCCCGGGGCCCCTTTTTTAAACCCCGGGGGGGGAAAACCCCGGGG  
TTTCCCAATTTATCCCCTTGGGAAAAATCCCCTTTTCCCAGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCAT  
TCCCCTTCCCAAATTTTCCCCCCCCGAAAGGGGAAAAGGGACCCCCCTGGAACGGCCCCCTAAACCGGGGGG  
GGGGGGGGGTTTCCCCAACTGGGCCCCTAACTTTGCCGCGCCCTAACCCCCCTCTTTTCTTTTTTCTT  
TCTTTTCGCCCGTGTTCGGTTCCTCC

>trans\_c\_143 EF672645|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 19 (FLA19)  
mRNA, complete cds

GACTTTGCACCATTTCTCAGAAATTCAAACCTCTCTCTCTCCCGATTGATAATGCTGCTGCAACTCTGCCGCGGC  
GCCGCCGCCGGGTCTTTGTCTCGCGTTCTATTCTCGTCATCTCCACCGCTACGGCTCACAACATTACTAAG  
CTTCTAGAGAAGCACCCGGAGTTCTCCACTTCAACCACTATTTGACCACCACTCACCTTGCGCCGGAGATTAA  
CCGGAGAACCACCACTTACTGTTTGCCTCGTCGACAACCTCCGCCATGTCTGATCTCTTGGCCAAACAACCTCTCCA  
TTTACCCTATCAAGAACACTCTCTCACTCCATGTCCTCCTCGACTACTTCGGAGCCAAGAAGCTGCACCAGATC  
ACTAATGGAAGTCTCTGCTGCCACTATGTTTCAAGCTACTGGCTCTGCTCCTGGTTCTTCCGGTTTCGTCAT  
AATACTGACCTCAAGGGCGGTAAAGTAGGGTTTGGCCTTCAGGATAGTGACGACATTGATGCGATGTTTGTG  
AAATCTGTGGAAGAGGTTCCGTATAATATCTCTATCATTGATCAGTAAGATCTTGCCGTCTCAAGTGGCGG  
AAGCTCCAACCTCCGTCTCCTAGTGAGATGAATTTAACCGGAATAATGTCTGCTCACGGTTGCAAGGTTTTGCG  
GAACTCTTCAGGCCTCTGACGCTGTGAAGACGTTTCAGGAAAATGCAATCGGTGGATTGACGGTTTTCTGTC  
CTCTAGATGACGTTTTCAAGGCGTTTTTGCCTAAGTACAAGAAGTACTGACGCTGGAAAGATCTCCTTGCTT  
GAATACCACGGTTTGCCTGTGTATAATTCTATGTCCATGCTTAAGTCTAACAATGGCGTCACGAACACCTTGGC  
CACTGACGGTGCTAACAAGTACGATTTCTGTCGTACAAAACGACGGCGAAGTGGTTACTCTCCAGACGAAAGTC  
GTAACCGCCAAAATCACCGGCACGCTTCTCGACGAGCAACCAAGTGGCTATCTACACAATCGACAAAGTTTTGA  
AGCCGAGAGAAGTCTTCAAAAAGGAGATTCCGGCTCCGGCACCGGCACCGAGCGCTGAGACAGAAAAACCTG  
CCGACGCTCCCAAGGCTCATTTCTATCGGCACAAGGGCGCCGCGACTCCTGAAGCAGACTCACCGGCAGATT  
TCCGTCCGACGAAGATCCAGCAGATCAGACGACGGATGGTAATGGCGCGGTGAGGCTCAACGGATGGAGAT  
TTGTTTTGGCTGGAATTCAGGTTTGGCAGCGCTTCTTCTACTGTAAGGTCGTCTTCTACATTTGCGCGGCC  
TAGTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTCTTTTAAATTTAATTTTACTTTTTTTTTCTTTGGACTTGAAT  
AATTTCTTTGTTTCTTTTTTTTGTCCGAAAATATTGAAATTGGTTGTAGTACATTGCTGTCCTCATCTGTCGTC  
TCCAAGGGGTGTTTATTTATTTATTTTATTTTCTTTTCTTTTGGAGAAAGAGAATTTCTACGGCTGTGATTTGGT  
TTCAACTTTCAAGGGTGAAGTTTAAATATTGTTGTTGTTGTTGCTAATCGCTTAATTAATTAATGTAAATTTGA  
TGTGATAATTGTGATTTTATAATGATAAGCAACGTCGTTTCGTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_144 NM\_106416|Arabidopsis thaliana aminotransferase class I and II family protein  
(AT1G77670) mRNA, complete cds

ATGGAACACACATGTCCGGCTAAATCAAAGGGAGTCCATTTTCTGGCCAGCGATTGACGCAGCCCCTAGCT  
AGCGAGCGTTGAACTCAGCAGCTCTTGCGAAAGGAAATTCCAAAATTTCTAATGCGGATGCACTGCACCTGGA  
CCCTCAACCGCTTCAATTCAGACCTTCGTTTTGTCTAGATGTACTAATATTACCCAAAACCAAGCTCTATTC

GCTCTTCTGTTCTGGCCACCATGTCCACTGTTTCCACTGAAACCGCCGTCGCTTCCGAGCAGAATGGATCGACC  
AACGACGCTCAGAAGCCATTGCAGGTTTCAAACCGGCTGGAAAAGTTCAAAACAACCATTTTCTACTAGAATGA  
GTAACCTTGGCAATTCAATATGGGGGAATAAACCTTGGCCAAGGCTTCCCAAACCTTGATGGTCCCGAATTTGT  
GAAGGAAGCAGCAATTCAAGCCATCAAAGATGGTAAAAATCAATATGCTCGTGGATGTGGAGTGCCAGACTT  
AAACTTGGCCATTTCTGAGAGATTCAAGAAAGATACTGGACTTGTTGTCGACCCAGAGAAGGAAGTTACAGTT  
ACCTCTGGGTGCACCGAAGCAATTGCCGCAACTATGCTTGGCTTAATAAATCCTGGCGACGAGGTGATCCTTT  
TTGCTCCTTTTTATGACTCTTATGAAGCCACTCTATCAATGGCTGGTGCAAAAATCAAGTGCATCACACTACGCC  
CACCAGATTTTTCTCTCCCTATAAATGAGCTCAGGTCAGCAATCTCAAAGGATACTCGTGCTGTTCTTATTAACA  
CACCACATAACCCAACGGGAAAAATGTTCAAGGGATGAACTTAATGAGATTGCCTCTCTCTGCATTGAGAA  
CGATGTGCTAGTTTTTGTGATGAAGTTTATGACAAATTATCTTTGAAATGGACCACATTTCCATTGCTTCTCT  
TCCGGGAATGTTTGAGCGCACTGTCACCATGAATTCGTTAGGGAAAACATTCTCCCTCACTGGTTGGAAGATA  
GGTTGGGCAATCGCCCCGCCTCATTTGACATGGGGGGTGCGACAAGCACACGCTTTCCTTACATTTGCTACTTC  
CACACCAATGCAGTCAGCTGCTGCTACAGCTCTCCGAGCACCCGAATCTTACTATGAGGAGCTGAAGAAAGAT  
TACCTATCAAAGAAAGCCATTTTGAAGAGGGTCTGAAGGCAGTTGGTTTCAAGGTCTTTCATCAAGTGGA  
CCTACTTTATTATTGTCGATCACACCCCTTTTGGGTTGAAGAATGACGTCGACTTTTGCAGTATCTGATCAAA  
GAAGTTGGAGTCGTTGCTATTCCAACCAAGTGTTTTCTACCTTAACCCAGAAGATGGGAAAAATCTTGTTAGATT  
TACATTCTGCAAAGATGAGAACACTCTCAGGGCCGCTGTAGATAGGATGAAGGAGAAGCTAATTAGGAAGTC  
ATGATTGCTGAGAGCCTAGTTTCTCAAAGATCCATGCTTCCATTTTCTGTTTCCCCTGGTACTTTGGAGTTCAA  
TTTATTGCATCAATGAATAGAAAATTCTAGTGGAATAATTCCAAAGACACTGTTACTAATAATTGTTTTAAAG  
CTACAACATTGGGTCTCTATCGGGTGAATTTCAAATCATATAATTAATTTGGAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_145 BT010538|Arabidopsis thaliana At3g62220 gene, complete cds

AGGAAGGGGAGAAAAAAAAAAGGCAATAAAGTCACCTTGATAAAGGATAGAAATAAAACAAATAGAACAAAT  
TGAGAAATTTAGAGAACAAAATAGGCATTAGGCAGCGCAATCTTCGCCGGCTCCGAGCTCAGATCACGAAG  
TGCCTGAACGGCGATACACAGTCTTCTTCACAGTTTTTTCACACTCCAATTGAAGCTTTCAGCTCTTAAAGTTTG  
TCGGATTGCTCTGTTTTTCTGTTAGGGGATCGATTAGTGGGAAAAGATGAGCTGCTTATGCTGTGAAGAA  
GATGAAATTCAGAAGGCAGCTGACAATGGACACATGTATGCAGGAAAACAAAATACAGGAAACAATGGGGG  
TTATCATAAACCCGAAGCTGCACCAGCAGTCACTCAAGCTGTCAAAATGCAACCAATATTAGTTCCTACCATAC  
CCATTGAAGAACTATCAGAAGTAACGGATAACTTTGGAAATGAAGCTTTGATTGGAGAGGGTTCATATGGGA  
GAGTATACTATGGGATGCTTAAAAATGGGCAGCCTGCAGCGATCAAGAAGTTAGACGCCAGCAAACAGCCGG  
ATGATGAATTTTTAGCACAGGTCTCCATGGTCTCGAGGCTGAAGCATGGAAATTTTGTCAACTGCTTGGTTAT  
TGCGTTGATGGGAGTTCCCGCATACTAGTATACGAGTATGCTTCTAATGGATCACTTCATGATATTCTTCATGG  
AAGAAAAGGAGTGAAAGGAGCACAACCAGGTCCCGTTCTATCATGGGCAAACGTGTGAAAATTGCTGTAGG  
GGCCGCCAGAGGACTCGAGTATTTGCATGAAAAGGCTGAGTCCCACATTATCCATCGTGATATTAAGTCCAGC  
AATGTACTGATCTTTGATGATGATGTTGCTAAAATTGCTGACTTCGATTTGTCCAATCAAGCTCCTGATATGGC  
AGCACGTCTTCACTCTACCCGTGTTCTTGGAACCTTTGGTTATCATGCTCCTGAATATGCTATGACTGGCCAATT  
GAATGCCAAGAGTGATGTTTATAGCTTTGGTGTAGTCTTGCTTGAACCTTCTGACAGGGAGAAAACCTGTAGAT  
CCTACGCTACCACGAGGACAACAAAGTCTAGTTACTTGGGCTACACCAAAGCTGAGTGAAGATAAAGTTAGG  
CAGTGTGTCGATGCAAGGCTTGGTGGAGACTTCCCCCAAAGGCTGTAGCAAAGTTAGCAGCTGTTGCTGCCT  
TGTGTGTGCAGTATGAGGCAGATTTCCGGCCAAACATGAGCATTGTTGTCAAAGCTCTCCAGCATCTATTAAT  
GCCCCACCTGGGCGTCTGGTGATGCATCAAACCTGTAAGTTCTATTCATCTCATTCACTGTATCAATTTGCAT  
ACAAGCGTATAAGAAAGAAATTGTATCTGAAGAAATTAAGTTAGTGAATTGTTTGGATATTTTTTAAATATGT  
TTCTCTTAATTTACGTTTTATAAGTCATCTGTATCAAATCACGGCTCCCATGTCGAAATGTTTCAGTGTATTCTAT  
TTTCTTTTAAATATCTGGTTAGTTGTGGAATGTAATATTGTTTAGTTGTAAGCATTGCTAGAGGGAGTTAATGT

ATATAAAGACTATTCTGTCTCAGTTAAATAATATTGAATTTTCATTTCTTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_146 HM122708|Malus x domestica TLP domain class transcription factor (TLP7) mRNA,  
complete cds

AATATGATTTTTTACGTCAATCTTCTTCTTCTTCTCCTCCTCACTGTTTGAATATTGATTAAGAAGCCTCAACAG  
GATCCATCAATTTCTGAAGCCCAACAAACAAATCTCCTGTTCTGCTGATTTTCCCCGAAAGGATTGATATGCCA  
AACAAATATGTCATTCAAAAGCTTTTTTCGCGAGCTAAGGGAAATGAAAAATGGGATTAGAATCAGACCGAA  
GCGAGGGGGGAGAAGGGAGGAATTGGCGAAGTCGTTCAAGGGCACATATTGCACCTGATGAGGTGCCTCCTC  
AACCTGAAGTAATAACAAGGGCAGTGGGCAAATTTGCCTCCTGAGTTGCTTTTGACATAATTGGAAGAGT  
TGAAGAGAGTGAAACGTCGTGGCCTGCTAGGACTGTTGTTCTTTTCTGTGCTTCAGTTTGCAAGTCATGGAGA  
AAAATTACACAGGAAATTGCTAAACTCCTGAGCAGTGTGGGAGGCTCACGTTTCCCATTTTCGCTTAAACAGC  
CGGGACCTCGAGACTCTCCAATTCAATGCTATGTTAGAAGGCATAGAGCAACTTCAACCTATCTTCTATACTCC  
GGATTGGTGCCTTCGGAGAATGAAGGTGATAAACTCTTATTAGCAGCCAAGAGAATAAGAAGGGCTACGGGT  
ACAGATTTTGTTATATCTTTGGTAGCTGATGATTTTTCTTGGGCTTGCAGTACCTATGTGGGTAAATTAAGGTC  
CAACTTTTTTGGCTCAAGATTCACCATGTATGATAGTCAACCACCAGTTCTCACTGCAGGACGACAGAGCAATC  
AATCAAATCGAAGGTTTCATGCCAAGCAAGTCTCTCCACCAATGTCAGCTTGCAACTACTCTATAGGGTCAGTC  
TCTTATGAGCTTAACATTCTACGAAGTAGAGGACCACGAAGAATGCGCTGTGTCATGCAGTCAATCCCTGCATC  
TTGCATTCAACAGGGAGGAAATGCACCGACACCAACCTCATTCTCGTCCTGCCTCAATGACCATCATCACCACC  
CACCTTTACCGACTTCTAAAGGAAAGAAGTCAGACATAGATTTCCGTTCCACAAGTATCACTGAGCCACCAGTT  
CAAGAATTGGGAGAATCTTTGTTCTCAAGAACAAGGCTCCCAGATGGCATGAACAGTCCAATGCTGGTGTCT  
TGAACCTCAGAGGGCGTGTGACAGTGGCTTCTGTAAAAAATTTCCAACCTCGTGGCCGATGTCGATCCGGCCCT  
TGATGTGTCAGTTGAAGAACAAGAGAAGATAATATTGCAGTTTGAAAAATTGGAAAGGACATCTTCACGAT  
GGATTATCGCTACCCGCTCTCTGCTTTCCAAGCCTTTGCGATCTGCTTAAGCAGCTTTGACACCAAACAGCCT  
GTGAATAGTAATACATCCAATTCTCAGTGATTGAGAAAGTTAAAGAGTTTCAAGCCATGAACCTGATTGTTTCT  
TACAAAACCTCCGTCTCTTTACTTTGAAGCCTTTTCAACTGGAAGGTAAAGCATTGCACAGCCATTCCACAGTCC  
AGGGTTATGGAGCTGAACCTGATGTATGCGTTTCTCACATCTGTTGATCTGAGATTGTTTTAAATTTACCAT  
CTCCTTGTTAATGGAACTTCACTTCTTCATCTATATCAATCCATGTTGTTCTATAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_147 NM\_001056390|Oryza sativa Japonica Group Os03g0300200 (Os03g0300200)  
mRNA, complete cds

AACCGCTTCTTCTTCAAGTGAGCGCGGCCGACCCCCCACTCTCCGTTCACTGCCACCGTAGCCTCGCCACCGT  
TCAATCAGTTTGAGCCGTATTCAGTCGCTGGTCACCGCCTGCAGGTCCACTACCCACGACGTCGAGGTTGA  
CGTGAACCAGCAGCCCAACAACGCTGATTTTCCTTGGCCATTTGTTGGAACGTTATACAGGAAGGTTTGGCTT  
GTGATTGATGAACTTTGTTTCTGAGGTTGAGGCTGACAATATGGAAGAGATTGGTGCGGTGGAATCCATGG  
ATAAACTTAGTAGCCTTCGTATCACCTCTTTAGATGATGATGATGAAGAATTGCAAGATGACTATGACACTGAT  
GAGGATGAAGAAATGAATGAATCAGTGGTTTTGGGTCTCGTTACGAACCCCAAAAATTCGTGGTCTCTTCTTC  
CCCAGCTATTTCCAAGCAAGGCTGGAGGAGTACCGGCTTGTTGGATCCAGTGAATTTGCCGTCTGGAAGGTC  
TTGCCTTTGTGATATATGTGGAGAGCCTTTGCAGTTTTTAATTCACATTTATGCTCCTATTGTGGAGAAGGACTC  
AACATTTTCATCGAACATTATTTGTGTTTATGTGTCCATCCATGACTTGTCTTCTACGAGATCAACATGAGCAGTG  
GAAAAGCAAGTCTGAGAAGTCATCTCGTAGTGTGAAGGTTTTCCGCAGTCAATTACCCCGTAATAATCCCTTTT  
ACTCGAGTGAACCTCCAAAACATGATGGGAGTGACAACTCTGTCAATCTGGAGTTGCACGTTGTACCTGGTG  
CGGTACTTGGAAGGAGACAAAGTTTGTAGCAAGTGTAGAACAGCACGCTATTGTTCTGAGAAACATCAGGC

TACTCATTGGCGTACTGGCCATAAACTGATTGCCAACGAATGTGCATGTCTTCTCAGTTATCAAGTTCTAAAC  
TGACTAATGATCATCACGAAACAGATATTGAGAAAGTTTCAAGCAAGCATCTTTGGCCTGAATTTGAGATTAT  
GCATGAATACGAAAGTGAGTTCGACATTGAAATATCTCAAGACAATTCTTATGCAAATGCTTTGGTTTGTAAG  
GATAGGATGGATGACTCGATGAAGTCATTGTTGGCCAAATTTGAGGGAGACGATGATAGAAAGTCTTGGGCT  
TCTTTTCAAGCTCGAATATCAAAGGCACCTGAACAAGTGTGAGATATTGTAGAGATGTGGGATCTAAACCTTT  
ATGGCCAACTTCAAGCGGTCTGCCTTCCGAAGCAGACATCCCAAAATGCAATTACTGCAGCGGTCCCATGTGT  
TATGAATTTGAGATCTTGCCTCAATTGCTTTATTATTTTCGGGGTAAAGAATGATGTGGACTCACTCGATTGGGC  
CACAATTGTTGTGTATACATGTGAAGCCTCCTGCGAGTCCAGCGTAGCTTATAAAGAGGAGTTTGCTTGGGTT  
CAACTCTCTGTCCCATCAGCTGGTCACCAAGTAATATTTTTTCCAGTTTTGCTCTTCAGCAATTCTTAATGCCATA  
TGATGAGTATGTTTTTGTACTCTTCCAATATTTCTCAGAATGTTAAATTATAGAAATCATCTATTTTCTGCCT  
CATCTTTTTTTTCTGTATTCTATAAATCTTGCCTTATCATAATTATTACATCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_148 DQ118734|Cucumis sativus cultivar Kfir Trichoderma-induced protein kinase (TIPK)  
mRNA, complete cds

ACAATTTCTTCTCTGCATAAATATTCATCCAAGTTCTTAAATTCTTCTTCAAACCTTTGGTCTTGGTCTTCATCTTC  
ATTCTGGGGTTTCATTTTCTTGACTCATAATCGGAGAATTTGATTGAGAAGGCGTTTCTGAGCAAAGGGTTTCG  
AGGAATATGGCTGATGTTGGTCAGAACAACCCCGCTGATTTTCCAGCTCTTCCAACCCACGGTGGCCAATACG  
TTCAGTATAACATTTTTGGGAATCCCTTCGAAATCACCTCAAATATCGTCTCCGATTATGCCTATTGGTCGCG  
GCGCATACGGAATCGTTTGTCTGTTTGAATTCGAGACCAATGAAATGGTTGCGGTTAAGAAGATTGCTAA  
CGCGTTTGATAACCATATGGATGCGAAGAGGACGCTCCGTGAGATTAAGCTTCTACGCCATTTGGATCATGAA  
AATGTAATAGGCATAAGAGATGTGATTCTCCACCTTTACGGAGAGAATTCAATGATGTCTACATTTGACTGA  
ACTAATGGATACTGATCTTCACCAAATAATCCGCTCCAATCAAAGTTTATCAGAAGAGCATTGTCAGTATTTCC  
TTTATCAGATTCTCAGAGGACTGAAATACATACATTGGCAAATGTCATTCATCGAGACTTGAAACCGAGCAAT  
CTATTGCTTAATGCAAACCTGTGATCTTAAAATATGCGACTTTGGTCTTGCTCGACCAACTTCAGAAAATGAATG  
TATGACGGAATATGTTGTGACAAGATGGTACAGAGCACCTGAGCTTCTTTGAACTCTGATTATACAGCTGCTA  
TCGATATATGGTCTGTTGGTTGCATCTTTCTGGAGCTTATGAATAGAAGGCCTTTATTTCCAGGCAGGGATCAT  
GTGCATCAGATGCGATTATTGACCGAGCTTCTTGGCACACCAACCGAGTCAGATCTTGGTTTTATCCGAAATGA  
AGACTCGAAAAGATATCTTCGGCAGCTACCTCCACATCCTCGTCAGCCATTAGCAACGGTTTTTCCACATGTTT  
ATCCGTTAGCAATTGATCTTGTGGATAAAATGTTGACATTTGACCCAACAAAGAGAATTACTGTTGAAGAAGC  
ATTAGCACATCCATACCTAGAAAGATTGCATGACACAGCCGATGAGCCGTTTGTCTCAGAGCCATTCTCGTTT  
GAGTTTGAGCAACAATACTTAGACGAAGAACAGATGAAGGAGATGATTTACAGAGAGGCATTGGCACTCAAT  
CCAGAATTTGCATGACCATAAAAGCATTCTGTCTCGATCTGTCTCTTCCCAAGTAATGACGACTTTGCATATA  
CAAGATAACATACAATGAAGATAACGGCTCAGATTGGTGTACAAAGTGAATCAAATCAGATAAGAGCTTTGT  
ATGTTGAATTGGCTAACTTATCTGTTTCATTCATCTATCAGCTCTTATTAAGAATACCTTAAATTGTTAGTTTATT  
TTTTTGTCCACGTTTGATCCTTTAAGTTTATGTTTTTTTTCTTTTTTCTTTTTTGTATTCTTTGTATCTTTCT  
GTATTTGTTTGATTTGAAAATAATGTTGAATCTATATCTTGTACAGGAAACAATATTAATGCAAACCTATTTTA  
ATAAACTTCTATTTACGTGTTGTTTACNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_149 NM\_001035991|Arabidopsis thaliana wound-responsive family protein  
(AT1G19660) mRNA, complete cds

ATTCACACTCCTTTGCAGAGTCCATTTATCTTCTCCCCGTCTACCGTTTCTCCTTATCCCCTCATCTTGTGCGTCT  
TTTCTTCCGACTTCTTTTTTAATTTATTTCCGTCAATTTCTTCTTTGATCTATGTTGTTGATAATCTCTGAACCT  
GAATTTGGCCATCAATCCCTTCTTGAAATTCAGATTGTGGATTCTAGAATCCGGGATCGAGAATCTGGCGG

GAATTGTTTTACCACTCCAGCTGTGATCGTCGATTTTTAGCAGCACGTTTCGAGTTTTGGTCGTGTACGGCCT  
AATTTTTGTATCTCTAAAAGGCGATATGGGGTCGTTGCAAGGACCAGTTGTTTGCCTACTATTCGTGCGAAG  
CAAGCAGGGTTTTGTTCTTTGCCAATCAATCGTTCTTTAATGGCTTTTAGTTTTCGAAGAGGTGAATTATGGGG  
ATTCACGGGGATCAACGGTTTGAATGCTAAGTTACCGGCTATTTCTCTCAAAGGTTGTGCTAGAAAATGCAAG  
ACATTGCGTTGCAGCTTTAGTTCATCATCTGACGACAATGGAAGTACAGCCGAGAACTTCAACGAGAAAAGACG  
AAGAATATGTTGAATCCAGCGTGGTCGAGGCTGTTGAGGTGAAAAGTGGTGCAGATGGTTTCGTGATTGAAA  
TGAGGGATGGTAGGCATTTAAGGTGTGTTCAACAACCCCTCATGGCGGGCATCTGCCTGATTATGCTCCACA  
TCCTGCAATTGTGTTGAAGATGGAAGATGGAACGGTCTTCTTCTCCATAATCGTGTTGGAAATGCCGAGT  
GTGTTGCTTATGGCTGCTGTGCGCAATGTTCCAATTGCTAGACCAACTATGTATCAAGTGGTAAAAGAGATGG  
TTGACAAGATGGGCTATGAAGTCAAACCTGTAAGGGTTACCAAGAGAGTACACGAGGCATATTTTGCTCAGTT  
ATACCTCTCAAAGATTGGCTGTGAGACGGACTGCCTCAGCTTTGATCTCCGACCTTCAGATGCAATAAACATTG  
CAGTCCGATGCAAGGTGCCAATTCAAGTGAACAAGTATCTGCATATAGTGATGGTATGAGAGTTGTTGAAAG  
TGGGAAGCTGTCAACTCAGGCCCCGGCTACGGATGGTTTATTATCACTGAACTGGATAGGCCTAGTGGTCAG  
CCTTGTTGTTGAAGCTAAAGAGTTCAATCTCGTGAGGAACATGCTGATTGCTGCTGTTGAAGAGCGCTATAGAG  
ATGCTGCTCAATGGAGGGACAAGCTCAATCTCTGAGGGCTAGGAGGAATTTGGCATAACAAGAGTTACTCC  
TGGAGATAGCATACCTGTACATAGAACGGAATTGTTTCATGGCTGAGGTCGGTTTGTGCGGGTGAACCACATT  
GCCTCTGGCCTCTTCTACTTGCAATTATGTATTTAGCAACTCTGTGAATACATATCTATATATATATGTAGATAGA  
AGTTGGGTGGTTTTGGGTCATTGGATGCGTTATTTGTGAAATGCATGAAATATAACCAATTTGCTTTGATGTTT  
CACAATCACAAGATGAATTTGTGAATGAACTACATTGCTTATTTATAGCAGTGACATAATCGCCAAGGTGCC  
ATTGTATAAGATAGGTATATATTATTTATTAAGATGTTCTTTTAGTTTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_150 HM122647|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR4)  
mRNA, complete cds

AACATTATTTATTGTATTCCCTCTCCGACTCAAATCCGAAAGACGGTTTGTATTATAAACACATTCTATAGTCG  
AACCCAACTCCACCATACAAAAACCGAAACCTCCAGACCTCAGAGTTTGACGAATTCAGTCCAACAACACTG  
AGGTTTGATCCTCAATTCACCATTTCTTTCAGGATTTTCATGGTTTTTTGGTGTCTGTCAATCATAATCCTCATTC  
TACTTGAGGATTTTACTCCGATTCGATGAAGATGAGCCATTTTCCCGGATTGATTCTGTTCAAACCTCCGACTCC  
TTCATAAGAACTGCTGCTCTACCTACTTCGACTTCTAATTCTGTTGCTGCCTTCACGGTTTCGGAGGATGCGA  
GTAAGAAGATTGAAAGCCTTATACAATTACCAAGTCGAGAGAGAGTTGGACGGAACAAGAGCACGATAAGT  
TTCTTGAAGCTCTTCAATTATTTGATCGTGACTGGAAGAAGATTGAAGCATTTGTTGGCTCAAAAACAGTTATC  
CAGATTCGCGAGTCATGCTCAAAAATATTTTCTAAAGATTCAAAAAGTGGGAAAAGTGAGCATGTACCTCCTC  
CTCGACCAAAGAAGAAAGCATCTCATCCATACCCACAAAAGGCTCCTAAGAATGCGACCACTCAGCATCCTGG  
GATGTATCAACCCCTATCTTCTCCATTGCAACCAAGATATATTTACATTCCAGACTCAGCAGCAGGGTTTGGAC  
TTCCTAGTCCAAATGCTACCTTCTCTTCTTGGAGCTGTAGCCCTGTGCCGACTATTGATGTGTCACAAGTACCCA  
AAGTAGGTGGACCAACATTGGCACATAGTAGCAGTAGTGAGAGCACTCCACGGACATGGAACTTGGAGAA  
ATTTCTGACCAAGGAAATCAGAGCATGCGAAACAGAGTTATGCCGGATTTTGCTCAAGTTTATAGCTTCATCG  
GCAGTGATTTGATCCCACTGTCTCGGGTCATATTCAGAGACTAAGAAAGATGGACCCAATAAATCTAGAGAC  
GGCTCTGCTTTTAAATGCAAAATCTTGCCGTCAACTTGATCAGTCCAGAATTCGAAGACCACAGAAAACAGTTT  
CATCATATGATGAAGACATGAAGAAGGCCAAATCTGGTAGCCTCTTTAACAGTCTACACAACGTGAGATCAGA  
CAATACCATTCTATCAGCTTAGAGAATAATAAGGGGCGAAAAACCTTTTGCAGTCCGAGCATTGTTGATTT  
TAATATATTCTTTTCAAGTTGCGCTAATCCATCAAAAACCTAACGATATCAGATGAACTATATGTCAGGTTGGTT  
GAGAAGTTGATATTGTTGCATATAATGGAGGTGGGCTCAATAATACATTATGTGGAGATATGTCGAGCTAGTC  
GCACTAGTGGGCGTTCTTGAATGTATCCCCTGTAAATGAGTATGAAGTACTTGATGATAAACGTATGCAGTG  
TAGATAGAGTGATTCTACTCTACTTCATGCCCCGCGGGTTTCAGATCAGTGATAGAGTTTGAGTACGTAAG

GGGCTGTATTTTGGGGTTTGTGTAATATTAGTTTAGTTAGTTGGGTGTATTGTATATTTTATATTATGAACAAA  
ACGATAATTTCTACATAAGGTTGGATCATGAAGTGAGATCGTATTTGTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_151 FJ604857|Vitis vinifera strain DHQS01 3-dehydroquinate synthase mRNA, complete  
cds

ACAATGCCTCATTTCTCCACCAACTCCTCCATTCTCCGCCGCCGACCCATTCCGCCGCCGTAATTCTCTCTAG  
CACCACCCACACAATCCCATTATGCGCACTCTCCCAATTCTCTCTGCCTCTCTCCCGCCTCCGACCTTATCGTC  
AAATCCCCACTCTTCAAATCCTCCTCCGTCGGCTGCTTTTTCCCGATCTGCAGTCGAGTTCTGTCCATCTCCGG  
TGTTCTGCAACTGGGGTTGAGTTCAATCGAAATGGGTTTTCTGGGTTGAGTTCGAGGTCGTCGAGAGGGAAG  
ATTTTTGCGAGTTCTGCTCAGATTATGGATCAGTCGGCGATTAAACAGATTCTCTGCTCCCACGATTGTGGA  
AGTGGAATTTGGGTGACCGGAGTTATCCGATTATATTGGATCCGGCCTTCTCGATCAGCCTGAGATTCTTCAGA  
GGCATGTTTCATGGGAAGAGAGTTCTTATAGTCACCAATGATACTGTTGCACCATTTGATTTAGATAAAGTTACT  
GAAGCTTTAACTATTGGGAATCCAAATGTTTCAGTTGAAAGTGTTGTTTACCAGATGGTGAGAAGTACAAGG  
ATATGGACACACTCATGAAAGTCTTTGACAAGGCTATCGAGTCACGGCTTGATCGGCGATGCACATTCGTGGC  
CCTTGGAGGTGGTGTCAATGGTGATATGTGTGGTTATGCTGCTGCTTCTTCTTAGAGGCGTTAACTTCATTC  
AGATTCCCACGACTGTTATGGCACAAGTGGAATCTTCAGTTGGGGGAAAGACCGGTATAAATCACCGTCTGG  
GGAAGAACTTGATTGGCGCATTTTATCAACCTCAATGTGTTGTTGTAGATACAGATACATTAAACACCCTACCT  
GATAGGGAAGTGGCTTCTGGGTTTGCAGGAGTCAATTAAGTATGGTCTTATTAGGGATGCCGAGTTTTTCGAAT  
GGCAGGAGAAAAATATGCCTTCATTAATGGCAAGGGATCCAGCTGCCTTAGCTTATGCGATTAAACGTTCTGTG  
TGAGAACAAGGCCGAGGTTGTATCATTGGATGAGAAGGAAAGTGGAATACGGGCAACTCTGAAGTTAGGCC  
ACACATTCGGACACGCAATAGAACTGGGTTCGGGTATGGTCAGTGGCTCCATGGAGAAGCTGTTGCAGTTG  
GCACGGTGATGGCAGTCAACATGTCATACCGTCTTGGATGGATTGATGATACGATTGTAAGCAGAGTTCTCGC  
CATCCTAAAACAGGCTAAGTTGCCTACTGCACCTCCTGAAAGCATGACGGGTGGAAATGTTCAAATCTATAAT  
GGCGGTGACAAGAAGGTTGCTGATGGGCTACTAAGGCTAATTCTCTTGAAAGGTCCTCTAGGAACTGTGTT  
TTCACGGGCGATTATGACAGAAAGGCATTGGACGAGACGCTTCGTTCAATTTTGCAAGTCTGAATTTTTAAGA  
TGTAAGAGAGATCATTCCCAAGCTGTGTGTAAGTTCTGTACCATATGGTTTATGATATTGCTCTGGCTCTTCTC  
TCCCCACCCCCCTAGCTTTAGTCTTCATTATATTTATTAGAAAATCCAAGCGATGAGTGATTCTAATCTGGTAA  
TGCTATGATCCTTAACACAAGATCCACCATTCCACGGTGTGTTTGAATCAACTACTGAGATAAATAAAGTTCCAT  
CTTTGATCT

>trans\_c\_152 DQ174251|Gossypium hirsutum translation elongation factor 1A-2 (EF1A2) mRNA,  
complete cds

CGGGGGCCTCGCTGCTTCTGCTGCTTAAATTTAGGCTGCTTCTTCTTTGATTCTCTGCAAACTCTGTGG  
TTCGATTAATACCAAATGGGTAAGGAAAAGACTCATATCAACATCGTGGTTATTGGCCATGTCGACAGACCCT  
TCACGACCACCACTGGTCATCTTATCTACAAGCTTGGAGGAATTGACAAGCGTGTGATTGAGAGATTGAGAA  
GGAAGCCGCTGAGATGAACAAGAGGTCATTCAAGTATGCTTGGGTGCTCGACAACTTAAGGCGGAGCGTG  
AACGTGGTATTACCATTGACATTGCCCTGTGGAAGTTTGAAGACCACCAAGTACTACTGCACAGTCATCGATGCT  
CCCGGACATCGTGACTTTATCAAGAACATGATTACTGGAACCTCACAGGCTGACTGTGCTGTCCTCATTATTGA  
CTCCACCACTGGTGGTTTTGAGGCTGGTATTTCTAAGGATGGTCAGACTCGTGAGCATGCTCTTCTCGTTTCA  
CCCTTGGTGTCAAGCAAATGATCTGCTGCTGCAACAAGATGGATGCCACCACTCCCAAATACTCCAAGGCAAG  
GTACGATGAAATCGTGAAGGAAGTCTCATCTTACCTCAAGAAGGTCGGATACAACCCAGACAAAATCCCCTTC  
GTTCCAATCTCTGGTTTCGAGGGTGACAACATGATTGAGAGGTCCACCAACCTTGACTGGTACAAGGGACCAA  
CCCTTCTGAGGCTCTTGACTTGATCTCTGAGCCCAAGAGGCCCTCAGACAAGCCCTCCGTCTCCCACTTCAG

GACGTTTACAAGATTGGTGGTATTGGAAGTGTCCCTGTTGGACGTGTTGAACTGGTATCCTCAAGCCTGGTA  
TGGTTGTTACGTTCCGACCAACTGGACTGACCACTGAAGTTAAGTCTGTTGAAATGCACCACGAGTCTCTCCCA  
GAAGCTTTGCCCCGGTGACAATGTTGGATTCAACGTCAAGAACGTTGCTGTCAAGGATCTCAAGCGTGGTTTTG  
TTGCCTCGAACTCCAAGGACGACCCTGCCAAGGAAGCTGCCAACTTCACATCTCAGGTTATCATCATGAACCAC  
CCCGGTCAGATCGGTAATGGTTATGCTCCAGTCCTTGATTGCCACACCTCCCACATTGCTGTTAAGTTCGCTGA  
GATCCTCACAAAATCGATCGTCGATCTGGTAAGGAGCTTGAGAAGGAGCCCAAGTTCTTGAAGAATGGAGA  
TGCCGGTATGGTTAAGATGGTTCCAACCAAGCCCATGGTTGTGGAGACCTTCTCTTCATACCCACCATTGGGTC  
GTTTTGCTGTTTCGTGATATGCGTCAAACCGTTGCTGTTGGTGTATCAAGAGTGTGGAGAAGAAGGACCCAAC  
AGGAGCCAAGGTCACCAAGTCCGCCGTGAAGAAGAAATAAGTGATCAAAGCCTGCATTTTGTGTCATTGAGA  
AAACATGGTTTTAATATGCAAAATATGAGACTTTTGGTTTTTGGTACTCTTAGTAGTTCTTATTTATTTAGTTTAC  
ATGTCTGGTTTTGTGTTTTTCTCTTTTAATTTTGGTATGCTGTTTTTGAAGTCAATTTGAGACATTAAATTGTTG  
GATACTGCTGAGGGTTAAATGTTTTTAATCTAAGTTTTAATTTCTTCTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_153 NM\_100521|Arabidopsis thaliana ATP57; alpha,alpha-trehalose-phosphate  
synthase (UDP-forming)/ transferase, transferring glycosyl groups / trehalose-phosphat> (ATP57)  
mRNA, complete cds

TTGGCCTTTGGTTTCAGGGTTGTAGCACTCGATCCTAACTTTAGAAAGCTATCTATTGATGCCATTGTAGCTGC  
ATATTCGAGGTCTAAAAGGAGGGCTATACTTTTGGATTATGATGGCACTGTCATGCCGCAAACCTTCAATTGAT  
AAGACCCCAAGTCGTCAGGTGATTTCAATCATAGATTCACTGTGTGATGATGTTAGGAATACTGTTTTTGTGT  
CAGTGGAAGAGGGCGTGAAAGTTTGGGCAATTGGTTCTTCTTTCGCGATAAGCTTGGAATTGCTGCCGAGCA  
TGGCTATTTTATGAGGTGGTCTGCTGATAAGGACTGGGAAAATTGTGGTCAAGGTAGTGATTTTGGCTGGATA  
CAGATTGCAGAGCCAGTCATGAAATTATATACAGAAGCTACTGATGGCTCTTCTATTGAAACCAAGAAAGTG  
CCTTGGTGTGGCATCACCAGGATGCAGACCCTGATTTTGGTTGCAGCCAGGCGAAAGAATTATTGGATCACCT  
TGAAAGTGTGCTGGCAAATGAACCAGTTGCTGTAAAAAGTGGTCAGTTTATTGTAGAAGTGAAGCCACAGGG  
AGTCAGTAAAGTTTGGTGGCAGAAAAGATCTTCACGTCAATGGCAGAAGCAGGAAGACGGGCTGATTTTGT  
GCTATGCATTGGTGATGACAGATCTGATGAAGACATGTTTGAGATAATTGGTAATGCAGTGTCAAGTGGCTCC  
CTCTCTTCCAATACATTAGTTTTGCCTGCACGGTTGGACAGAAACCAAGCAAGGCCAAGTATTACTTAGATGA  
CACAACCGAGGTCATTAATATGCTTGAAGCCCTTGCAGAAGTTTCGGACATATCTTCTCCTCCTGAATCCCCTT  
GACAGTTCTTCTGCATGGCAGTGTTATAACATGCTCCTGTCTTCTCCGACCTTTAAGCAAGTGACGCTGGC  
TGGTGATTAGTATCAAATCACATTCATTTTCTGCTCTTGTGAAAGTTAATTAATGTGCAGCAAAATGGAAATG  
GCCTAATTTGAACCGTCAGCGTCTTGGATTCTTTACGATATATACAAGTGGATGCAAAAGTATGAAATGGGG  
GAAAAGCATTCAATTCATTCTTGGCATTAGGGGACCCGAATGGGGGTGGAATGAAATGGTACTAATATGGACA  
GACTGACTTGGGGGGATGTCGCGGAAACAACAGAGAGGAAGATGGCCGAATGATTTGTGAATAATCTTTGA  
GGCCCAGCCATTGGTATTTCCACGCTCGTTTGAAGTTGGTAGTCCCGAGTATCTATTCTTTTGATTCATGAATCT  
TTTTGGGTGGTGGGATGATCAAAGTCCAAGTAGAAAGTTAGAAAAGAAGCCTGAGCTCTCGTCTTGTTCAT  
AACTGTACCAAATGGACAACAGAATGATGTCCTTTGTCTCCTTTTCTTGTCTATTTTCATTTCTTTTCTCGTCA  
AATCTTGAGTGCATTTGTTTTCTCATTGTTACTTGAACCGTTTTATTTTGTCTACAAGAAATCTGTAAATTTCC  
TATATTAATCTATTTTGTAGACTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGATAAAATCTAAAAACGAAAAAAAAATATACCCTTTGC  
AACATTTGTGA

>trans\_c\_154 NM\_121236|Arabidopsis thaliana conserved oligomeric Golgi complex component-  
related / COG complex component-related (AT5G11980) mRNA, complete cds

CTTTCACCCTTGATCGCCTAAACAAGGAACCGGAGCTACTTCAGGTGGATGCGGAGCGAATTCGGAGGCCAA  
TACAAGAGGTGGCAGTGGGAACTACCGGGCTTTCATTGCCGCCCGGATGCGTTGCTTGCGATTGAGAAG  
AAGTATCTTCCATCGATAAGCATCTTGAATCTTGGATATCTGAGATTCCAAATTTGACATCGGGTTGCACAGAG  
TTTATTGAGTCTGCGGAACAGATTCTGGAGGAGAGGAAGATGAACCAGATATTGCTAACAAATCACAGTACTC  
TGCTTGATTTACTTGAAATTCCTCAGCTTATGGACACGTGTGTACGGAATGGAAATTACGATGAAGCTCTTGAC  
TTGGAAGCATTGTTGCAAACTTTCAACGATGCACCCTAAAATACCAGTTATTCAAGCACTGGTGGCAGAAG  
TCAGGCGAACCACCAATCTCTCTTTCTCAACTTCTCCAAAACTCCGTTCAAATATTAGTTACACGGAATGT  
CTCCGCATCATTGGATATTTACGTCAAATTGGAGTGTTAGTGAATATGAAATGCGTTTACAGTTTTTAAGAAG  
CCGAGAAGCATGGATTACTGGAATTCTCGAAGATCTTGACCAGAGAAATGCTTACGAATATTTGAAAGGAAT  
GATCAATTGTCACAGGACACATCTTTTTGACGTTGTTAATCAATATCGAGCTATATTTGCCGATGATACTCCG  
GAAGTGAAGAAAATTATGACAGCGGACTTCTTTTTAGTTGGTCTATGCATAAGAGAACTTCTCATCTGAAGAC  
CCTCAAGATAATGCTCCCAAAAATAACAGAAGGTGGATCTCTATCAAATATATTGGAGCAGTGCATGTACTGT  
GCGATGGGGCTTGGCTGGGTAAGAATGGATTTTCGTGGTTGACTTCTCCACTTTTTGAAGAAGCAGTTCGTA  
ATTTATTTTCAAAAATATGGCTACTGCAGTTGATAATTTTCAAGTTAGTTCTGGATACCCATCGTTGGGCTCCAC  
TACCAGCTGTTGGCTTTTCGGCAAGTACTATTGGCGAGGAAAGTCAGGAAGACGTGACTCCAATTCGAATTT  
GATGGAGCATCCACCTCTTGCTGTTTTTGTAAATGGTGTATCGGCAGCTATGAACGAACTCCGACATTGTGCCC  
CTTTAAGCTTGAAACAAGTAATAGCTCAGGAATTAATAAAGGGCTTGCAGGCTGTTTCTGACTCTTTGTTGAGA  
TACAACACAACCTCGCATGCTAAAAGATAATGAATCCGGACTTTTCTCCAGCTTTGCCGCGCATTATAGAGGT  
TGCTTATCCACATTGCGCCACTTGTTTTGGCCGATGTTATCTGGCGGTGTGACACTTATATTGGATGCAAAGA  
ATTTATACGATGGCATCGGTCGTCTATTGACCGTCTCTCCTCAAGGGAACACCAAAAACAGTCAGTAACGCC  
GAAGAGAAAACCATACAGAAAATGGCGATATGCCTGCGCTCGAAAATGGAGCTACATCAGATGCTGACAAG  
GACCAAAAAAGCCCTCCTTGATCAGCCATGAAAAGCAGCACAGCGAAGGTGAAGCAGAGCAAACAATTA  
TTAATAGCCTATACTTGATTTGTAGCCCTCCACTTTTTCTTTGTTTTCTTTTTGGGTCTATTCTTTTAACCT  
TCCT

>trans\_c\_155 NM\_125000|Arabidopsis thaliana ATARP8 (ACTIN-RELATED PROTEIN 8); structural  
constituent of cytoskeleton (ATARP8) mRNA, complete cds

TCCAGAGATACTCAAAGTCCCCTTTCTTATTTTTCTGTTTGTGTTGAAATGGGAACTGATTTTCCATGGAATTCA  
CAATTACACTTTCAATAATTTAGCTATGTAATCCATCCCTCTTCTCTTCCCCTTCTTTCAAGTTTCCAATGGCTAT  
GTTGCTCAGAAAAGTTTGGGGATCCGTCTCTACTCGGTCTCGATTGCCCTTGGAAAACCTCGTCTACTGGGTTTG  
AAGAGCCGTCGTTGGGTGATTTTGATCGGATTCCCGTGAAATACTGATGCAAATACTTCAATTAGCTGGCCC  
TAAGACCACAGCCAAAATGGGTATGCTTTGTAAGTCTTGAGATCTCTGTTTCTTCTGACAATACTCTTTGGA  
TTTTTTTTCTTCAAATCAATTGGAGCCTTGGGATTCTGTTTTATTTGGAGAACTAGTTGGCTTCTGGATACCC  
TCTTGAAACATTTTCTAGTTGATGATGCCATTGTCAATTTATGAAAGTATATAGCAAACGGGCTGAAGTGCCGG  
GCTCTGTTATCATTGATGGTGGTTCTGGTTATTGCAAATTTGGTTGGAGCAAATACAATGGTCCGTCCGGGCG  
TTCTGCAACATTTTTGGAATTTGGGAACATCGAATCTCCTATGTATTCTAGACTTCGGCATTTTTTTGCTACTATT  
TATAGCAGGATGCGGGTCAAACATCTTTCTATCCTGTGGTAGTGTCATTACCAATTTGCCATTATGATGATAC  
TGAATCTGCCAAAGCATCGAGACAGCAACTCAAAGAAGCCATCTATTCTGTGTTATTGACATGAATGTCCCTT  
CTGTTTGTGCCATTAATCAGGCAACATTAGCTTTGTATGCTGCAAGAAGAACTTCGGGAATTGTTGTCAATGTT  
GGGTTCCAGGTGACTTCAATTGTCCCAATTTACATGGCAAAGTAATGCGGAAAGTGGGGGTTGAAGTTGTG  
GGGCTGGGAGCTTTAAAGCTTACAGGATACCTCCGAGAGCTGATGCAACAGAATAATATACATTTTGAGTCAA  
TGTACACTGTTGCTACATTGAAAGAGAATCTATGTTATGTTGCTGAAGACTACGAAGCTGAATTGACCAAAGA  
TACTCAAGCTTCCTATGAAGCTGCTGAGGAAGGTTGGTTTACTCTTTCAAAGAGCGATTTCAAACCTGGAGAG  
ATCTTATTTCAACCACGTATAGGAGGAGTACGAGCAATGGGGCTGCACGAGGCTGTTGCACTTTGCATGGACC  
ATTGCCATGCTGCTCAACTGTCATACGATGACTCTGGTTCAAGACTGTGGTTTTGTCAGGTGGCAGTGCTTGT



CTCCAGGACTTGCAGAAAGGTTGCAGAAGGAACTTTATGGGCTTCTCCTTCACCATTGTCCAACGGAATCA  
GAGTCATTCTCCACCATATGGTACAGACACAGCTTGGTTTGGGGCAAGGCTTATTAGCAATCTAAGTACCTTC  
CCTAATCATTGGTGTATTACCAAGAAGCAATCCGACAAAAGTCAAACTCAACCTCATTTGGTGATCACCCCTT  
CGTCTCGGGTTGTTTGTCTATATTGAAAGTCGATGCCATCATTCGAGTCTTGCCTGGCGCTCAACATATCAGT  
AAAATATAAATGATAAAATAGGCTAGATAATTACTCCTTGTACTAAAATAGGTCCTTGAATAAAAGTGA

>trans\_c\_156 NM\_124707|Arabidopsis thaliana PDV1 (PLASTID DIVISION1) (PDV1) mRNA,  
complete cds

CCCCAATCTCCACTCCATTCTTTCCTCCTTCTTCTCCCTCTCTTTCTCTCTGTTTCCCTCCATGAAATGGGACAT  
GGAGATCGAGGAAATCGAGGCCGTCTCGAGAAGATTGGGATCTTCACGACAAGCTCAGTGAAGCTATTCA  
CTCAATTTCCCGAGATCACTTCTCACCTCCACCAAACATCTCAGGAAATCTGACAACAACAACAACAACA  
ACAAGGATTCCAACAACGCCCCATTCCCTTACCCCACTGCTGTCTTCCCTTTCATCGACGAATTCGGGTCTG  
ACCTTGATGATTCTGCCATCCAGGAAGCCAGAAGTCTTAATGCCATTGCAACTGCTCTTGAGAATCTCGAAGAT  
CAGCTCGAGTTCTTTCATACCGTTCAAGTGCAACAGCAGGTTGAGAGAGATGCTGCAATTGCACGACTAGAGC  
AAAGTAGGATTGTTCTTGCAATGAGATTGGCTGAACATCATGGCAAGAACTATAAAGTCATCAGTGAAGCTTT  
AGCGTTTGTTGGAGATGTACGTTATGCCGCTAACTATGTTTCACACGAAAACAAAGATGGTCCAAAGTTTAGC  
CCGAAGGGTCAGAAGCCATTGCCGAACAGTTCAAAGAGGTCTAATACTCTGATCAAGATGCTATTTTCAACCA  
TCGACTTTGCTAGGAAATCTCTCAAAACGGATCATGTGGGCGGGATACTTGGCAATGCTGCCATGGTTGCAAT  
TAGCATGGTTGCATTTCTGCATCTGCACCAGGTAGCATATAAGGTGGCTCCACTGGAGAGAGATGATATTCCT  
TTCGACAGAAACCTTCGAAGAACTTCTCGGCTCAAGGAATCTTCGTCGAATGAAGATTCAGCAACTTTGACGT  
CTTATCTGCAAGGGGTAGTGTGAATATATAAACTTTTCAAGCTTTGATGCATCTCTTATTCAGTTGTTTTTAA  
ATGTGAGCTGGCTATGTGATAATGTTTGTGTATGAAAATTATTTGATTTAGTAGTTAGAAATTTTCTTCATCAT  
TCTTGAGGTTGTAATTGCCTGTTGCATTGAGAGCTTAAATCTCGAGTCCACTGAGTTCTACAAACAAAAAACA  
ATCATGATTGGAATACCAAACTTCTAGCTTGCCAAGATTTCTCAAGTTATGAAGCAAGGATATGCCCGTTGG  
GCCTGATTTGAATCCTCTCCCCATTTGGGCTTGAACATGTAAGACCAATTCCTAAATCTATATCCATGAGATTG  
GGGTCCATTAAGGACTGTAAGAACATAGAGAATCTATAAGAATTGCCCAAAGAGATGATGAAGTGATCAAG  
AAACTGACTGTTTCATCCCGAAACCAAATCTTCTTTGACCTTGACCACATATCTGAACGAGAAAAAATGTTTGA  
ACAATAATTATATGCAGTCTAGGTTATACTTATCTCTATGCATCCCTAACTTGTAAGAAAAGAACTTTGCTACA  
TGGCAATGGCAATTTATGATGTGGGACTTGGTAGACTGCAACAGATTTTGAACCTGGAGATGCACCAAAAAA  
ATTATTGAAGGTAGACCAAAGGGGGAGAAATGACAAATTAGAAAGTCTTAATGAAAAGACATGTCGGCGGA  
GTGTTTGATATTGATTTGATTTGTGAGGGCTCTCATGGCCTCTAATCTGGATGGAGAANTAAGGGGGTTT

>trans\_c\_157 HM122517|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL6)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACCAATCTAATATTCGCTTTTAGATTAAATTAATTTGAATTAAGAAAATA  
AATACGAATTGTTAAAAGGAAAAAGGACCAAATTGTCATTTTAAGAATTAATCAGTGGGACTGTTTTAAAC  
GGTGGGGTAGTATTGGACTTTATTGACGTTTTGTGTGATTAATTTTTAACCGAACACGGTTAAAACTTAAC  
TCTTCTCTTTCCTTTACTTGGGTTTATCATTTATAAATCCGCAGCCGATCTTTTTATTCTTCATTCACACCACTCG  
GCTCCAAGATGATGATCGGAGAACAACTAGATTCAACCACACCATTCAGTTCCTCCTTGGGACCCACTTGAA  
GACCATCATATAACCGGAGTTTCCTCGCCGGTTTTCTGTTGCCGGTGGGGTCGATTCATTCATCGACTCTTTTTCC  
TCCATTCACCGGTACCTACCCTCTGCGGCGGATTCTGATGAATTGGATGGGGTGGGAGAGGCGGTGGACGGT  
TTTTCTGCGATCATTTTCGGATGTTTGAGTTCAAATCCGGAGATGTGCACGTGGGAGGTTCGCACGATTGGA  
CAGAGTGTCCGTACGCGCATCCTGGTGAGAAAGCTCGACGGCGTGACCCGAGGAAGTATCATTACTCCGGTA  
CGGCTTGTCCGGAGTTTCGAAAAGGAAATTGTAAGAAAGGGGATTCTTGTGATTTTGCTCATGGGATATTTGA

GTGTTGGCTTCATCCAGCTCGGTATCGGACTCAGCCGTGTAAGGATGGGTTAGCTTGTCGCCGTCGTGTCTGT  
TTTTTCGCGCACACGCCGGAACAGCTTCGGGTTCTGCCGCAGCAGAGTCCGAGAACCCCTGTTTCGGCTGATT  
CCGTTGATGGGTCATCACGAGTTGCACATGCATTGATTCATATTTTAGTAAAGGGTCATTTGTGACTTCACCC  
ACTTCAATTCTATCAACGCCGCCTGTATCTCCGCCTTCTGACTCACCACCCCTATCTCCGAATTGTCCGTTTAATT  
CAATGAATGGATTGGTCTCGTGTATGCGCAATCTTCAACTTGGGAAATTAAGCAACCGGTCTCATTGGGG  
AAAGAATCAATTAGGATCACAAAACCTCTCTCCCTCCGGCTCTGGTTTGTACAACCTACCGTCAACTCCAAC  
CACCGGAAATTACGAATTATGGGGGAAGAATTACGAGGAAGAACCTGCAATGGAGAGAGTGGAATCTGGGA  
GAGACTTAAGAGCTCAAATGTATGCGAAACTCAGCAAAGACAACCTGTGAAGGAGATGGATTGACATTGA  
CACCCGATGTCGGATGGGTTTCGGAGCTATTAATGTGAGAAATGGGTTCAAAAAGAAAAAAGAAGAAGAA  
GGAAACTTGATCAATCGGTGGCCTTTTTGGGGTTTGTGTGAATACATATTTGGTGGTGGGTTTGTGGAATT  
TTCAGCGTTTATTTTACAATTGTATTTAAATTAATTAGGAGAAAAGAATTACTCTGTTTTTATTGTAGATATGA  
AAAGACGGGATTTTTAGGCTGCCGAGAAGTAAGTAAGGGTACATAAGGAAGTTGTTGTCGGCTGGGCTTTG  
ATTTAATTTAAATTGTAATATGATATTTTCAGATTTCCAGTAAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_158 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

CCATAACATAAGAAAGTCGTGGAGTGCATAAGCCCCAGATAGGAGCTACTTTCTTGTGGTATTGCAATGAGCA  
AGTAGGGGGCGGCAACTAAAGAGGTAGCGAGACTGACCGCAATTGCAGGAATAGGTTGACTTTCTTTCATTT  
TGGTTATGGGGAAAGTGCAAGTCCTTTCTTTAGTACGAGATCGCTGAACACCTCGCGGTGCTTACACCTCTC  
GCCTATCGAAGTGATGTTCAAAAACCTCGTCCGAGAACTTGATAGAGAAGGATTTCCCGCGGCGCAGCGGTT  
CTTCATACCAACTTAGCTGCCCGGCGTCTGCTATTGGCATAACAACCGGTACACCATGAACCAATTTGGTCCAG  
TCCTCTCGTACTAGGGTTGGCTCCTCGCAGTTCTCCCTTTCACACCAACGGTAGATAGGAACCGAACTGTCTCA  
CGACGTTCTAAACCCAACTCACGTACCACTTTCATCGGCGAACAACCGAACCCTTGGGACCTTCTTCAACCCCA  
GGATGTGATGAGTCGACATCGAGGTGCCAAACGACTCCGTCAATAAGAGCTCTTGGGAGTCATCAGCCTGTT  
ATCCCCGGCGTACCTTTGATCCGTTGAGCGAGAGCCCTTCCACACGGAACCTCCGGATCACTATGGCCGACTTT  
CGTCTCTGTTGACCGAGTCGGTCTCACAGTCAGGCAGGCTTATACCATACGCTCACGAGCAGAATCTGAGCTT  
GAGCCTACCTTCGCACACCTCCGTTACTCTTTAGGAGGCATCCGCCCCAGATAAACTACCCACCTTGCAAGTGC  
CCGCCCCCCCCGAAAACTCGGTGCGGCGGTTAGGCATCCTTAGACGAAAGAGTGGTCTTTCAGGATTGGTCG  
TTGTGTGTCAACACCTCCACCTATCTACACATTCGATCAAGGTTGTCACTGCGAAGCTATAGTGAAGGTGC  
ACGGGGTCTTACCGTCTAGCCGTTGGTACTCCGCATCTTCACGGAGAATTCAATTTACCGGGTCCATGTCGG  
AGACAGCGGGGCGAGTCGTGACACCATTCGTGCAGGTCGCTACTTATGCGACAAGGAATTCGCTACCTTAGG  
ACAGTTAGAGTTACTGCCGCCGTTTACCGGGGCTTCCATTCAAAGCTTATCACACTTCTCTTCCGACCTTCCAG  
CACCGGGCAGGTGTCAGACTCTATACATCGTGTTACCACTTAGCAGAGTCCTGTGTTTTTAATAAACAGTCGCT  
ACCCCTGGTATGTGCCGCTTCTTAAGAAAAAGATAGGAGAGCACCCCTTCTCCGAAGTTACGGGGTCATT  
TTGCCGAGTTCCTTCGACATGGTTCTCTCAAGCGCCCTAGTATACTCTACTTGTTACCTGTGTGCGTTTGGGGT  
ACGGTCAGTTCACCGGGAGGATCGCCCTCCCAAAAAGAAGTTTTTCTGGAAGTTTCAACCTTGTTCACTATG  
ACAAGAGTCGCGACTACAAACAGACTCACGACTATGGCGGTACGCTCTCTCGGGACCCCTACTCAAAGGCGA  
GCACTGGAATGAGAAAGGCTTGTAAGTCTGTGAGGCTGAACGAGACATTCGAAAACGAAAGCGCACACTCTC  
AAGTGCTGAGAAAGGTGTCAGCAGGTGCGCGGAGCCGAGCCCGCCTCGCCGCTGGGCCGAGTCAAAGCC  
CACTTCA

>trans\_c\_159 NM\_111369|Arabidopsis thaliana zinc finger (DHHC type) family protein  
(AT3G04970) mRNA, complete cds

CTACCTTGTTGATGCCCTTGTTCAATTCTCAAACCTCTTGATTTTTGGATGTAGAGTAACCGAATTGATAAGGG  
AATCAAAATCAGCTTCTCTTCAATTTCTAGTGCGATGGCTGTTCAATGGTTACTGTTATGTCATGGCTTTGTTA

CTCTTTTAGTGGTGGTCTCTTTCTTTGTAGTCAATGGCCTATCTTTGAGGGCACTCCCATTCAACGTATTCACC  
ATTTTATCACTTCTGGCGCTACGATTATTTCTTACGATTTGTAGGATACGTATTTGGGTCAAAAGGAACTAAT  
GCAGTTCTTGC GTTGAAAGTTTCTGCTGCGACAGACCTAATCCAATCCTTCAGGTTATTTATCTTGCCATTATT  
GGGGTTACCTATTACATTGTTACGATGTCTACATTCCAATATGTCCCTGGTTATTATTTAAGTGGGATTCATAG  
GTACACAAGCTTTTTGGCTGTTACTGTTGGTGTCTCCTCTTTCTATTAACCAGCTTTTCTGATCCAGGGACAGT  
GAATGCTGATAATGTAACTCGTTATCTGTCTGCTTATCCATATGACAACATTATTTACTCTGAAAAGGAATGTTT  
AACTTGCAAAATTCCAAAACCTGCTAGATCCAAACATTGCAGCATATGTGATCGTTGCGTTGCACGTTTTGATC  
ATCATTGTGGATGGATGAATAACTGTATAGGGGAGAGGAATACCCGGTATTTTATGGCCTTCCTTTGTGGCA  
TTTCCTTCTTTGTATATACGGGACAGTTGCAATTGGACTAGTTCTTGCTGGACAATTAAGAAGAACTAAAGTTA  
TTTATGTCTTGACGTTTATTATGGAATTGAAATCTTTCTCCAGTCTAGCTCCATATGTTGTACAATGGATTCT  
GGGCTCATACAATACTCAACTACTACTTATGGTGTTCCTCGCGATAGTATCCCTGCTATTAGGAGGCTTCTTTG  
GTTACCACGCCAACTCTGTCTACAATACTACAACAAATGAGACTTTTAAGTGGCAAGAGTACCTTAGCTGGC  
AGAGGAAGGTAAATGAAGCCAGGGCAAGTGCAGCAGCCTTAACAACAAGCATGGATGGTCTGAGTTCTGAA  
AGAAAGCCTCCAGAGAGCAAAATGGAGAACCATTTTTCGTAGATCTCGACTCGAACAAGTGCAGGTTGTCAAG  
AATAATACTTATGATCAAGGATTGTTACACAACATTCATGAGGTTATTTCCCTTCTCATCAAGACCATCATTT  
TCACGAAGAAAACCAAAATCTGGCTGAAACTGCTGTAAATTAAATGTTCTGTGATGTGATGAACCGTATTCA  
ATGTAACCATCGATGGGTCCGTCCAGTCATGCTTGTCTTCAGATTGGAAGGTCGATCACTCAGTTGAATCACT  
CATGAAGGAGGATGGCCCTTTGAAGATTGTACAATATATCCTCTTGCTTTTTGCATTCTCCATAGTTTTTTGTGG  
TAGGGATCTTTATTGACCTCCTAATTTTAGTTTCTAAGATTGTTGTGAATTTCTAAATGTTTCTTTTTACGTTAG  
TCGGTTAGTGTAAGTCTAGTTTAAAAAGTTTTGATTCTAAGAAATTTATGAGCTTTGATGAAATGTAACCATTG  
ATTCTCTTTGTCAGTCCGGTGAAATTATTGATTTGAATGAGCGAAAGTTTTACCTAAA

>trans\_c\_160 NM\_116672|Arabidopsis thaliana early-responsive to dehydration protein-related /  
ERD protein-related (AT4G04340) mRNA, complete cds

ATTTCCAATGATCCAAAATCTATAATGCCAGCAGCTTTTGTTTCATTTAAGTCGCGTTGGGGTGCAGCTGTTTG  
TGCACAAACTCAGCAATCTAGAAATCCAACCTTTTGGTTGACAGAATGGGCTCCAGAGCCACGTGATGTATAT  
TGGGAAAATCTTGCAATTCCATATGTTTCACTTACTGTTAGAAAGCTAATTATGGGTGTTGCATTCTTCTTTCTT  
ACCTTCTTCTTCATGATTCCCATATCGTTTGTAATCTCTTGCAAGCATTGAGGGGATTGAGAAGTTCCTCCCA  
GTCCTGAAACCCATTATTGAAAGGGACTTTATTAAGTCATTTGTCCAAGGTTTTCTCCTGGAATCGTGTTGAA  
GATTTTTCTCATTTTTCTGCCTACAATATTGATGATAATGGCTAAATTTGAAGGATTTACATCTCTATCATCTCTA  
GAAAGGAGAGCAGCAGCTCGTACTACATTTTCACTTTGTGAATGTGTTTCTTGGCAGTGTAATTGCAGGAG  
CTGCTTTTGAACAACCTGAATTCTTTTATCAAGCAGTCTGCTGATCAAAATCCCAAGACAATTGGTGTGGCGATA  
CCAATGAAGGCAACCTTCTTTATACTTATATCATGGTTGATGGATGGGCTGGCATTGCTGGGGAGATTTTGA  
TGTTGAAGCCTTTGATAATGTTCCACTTAAAGAACTTTTTCTTAGTAAAGACTGAGAAGGATAGGGAAGAGGC  
AATGGATCCAGGAAGTCTCGGTTTCAACACAGGAGAACCTCGAATTCAGTTATATTTTCTATTAGGTCTTGTAT  
ATGCAACTGTGACACCACTTCTGCTTCTTTTATCATAGTCTTCTTTGCCCTCGGCTTGTGTTATTCCGGCATCA  
GATCATAAATGTCTACAACCAGGAATATGAGAGTGCCGCAGCATTCTGGCCTGATGTTTATGGGCGAATCATT  
TATGCATTGATTTTCTCACAGGTGGTTCTAATGGGACTACTAAGTACAAAGAAAGCTGCCCAATCAACCCCTTT  
TCTAATTGCACTTCCAGTAATCACCATATCATTCCATCTATACTGCAAAGGCCGCTATGAACCTGCATTTATCCG  
GTATCCCATACAGGAAGCAATGATGAAGGACACTTTGGAACGTGCAAGGGAACCAACCTGAATTTGAAAGG  
GTACTTGACGCTGCATATGCCCATCCGGTTTCAAGGAAAGTGAAGATGACGACGAAGTCGAGTCAAATGA  
AGCATTTGAAACAGAAAGTGTGTTGGTAGCGACGAAACGCCAATCAAGAAGAAACACCCCGTTGCCGAGTAA  
AGCAAGTGCTCCTTCGTCACCATCTTTGCCTGAGGTTTCGGAGAGACAACCATCAACCTTAAAACTAAATCAAA  
GGTACATAGGATTCACATCTCTGTACATTTTTTACTGTTAAATAAAATGTTATGTTGTGGAGAAATGATGTT  
GTAAATTGAATGAGAAAAAGTTGTAGAATTTAGAGTAACCAACTAGAAAAGTTTGTTATTGTTTTTTTTTTTT

CTCTTCTTTAAATTTAGTTGGTTTCTTAATAGTAAGGAGGATGATAAATATTAAATTATGTCTTGTTGGAGCCTT  
TTGTGTAATTTTCATATTTTTTTGGTTAGCTTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_161 NM\_116212|Arabidopsis thaliana scpl40 (serine carboxypeptidase-like 40); serine-  
type carboxypeptidase (scpl40) mRNA, complete cds

ATCGATCGAGATTTACAATGGCAATGAGAAATTCAGAATGCGGTTCTTCAATAATTCTCCTCTCTTTCTTCTTA  
ATCGTTCTTTTTCTGTTCAAATCGAGGCTAAGAATCAGAAGGAAGCGTTAGATGCTCTGTACAAAGCGAAATT  
CTTCAAGAACTCAAAAGCTGCCCCGGGGTTTTTCATCACAACCTTCTCGTTAACAGCGAATCAGCGACGACGACG  
ACGACGACTTATAATCAAAACGCCGAAAACGTTGAGATTTACGATCAAACCGGAATGAAGAAGCAGGACAAA  
ATCGTACGGCTTCCAGGACAACACCGAACGTTAGATTATCGCAGTACGGCGGATATGTGACGGTGAACAAA  
TCTGCGGGTAGAGCTTTTTATTATTACTTCGTTGAAGCTCCTCATAACAAGAAATCCTTGCCGCTTCTTCTCTGG  
CTCAACGGAGGGCCTGGGTGTTGCTCTCTTGCTATGGAGCAATGGCTGAACTGGGTCCCTTTCGCGTTGCGA  
GCGACGGCAAACCTCTTCCAAAATAAGTTCTCGTGAATCACGCTGCGAATGTGTTGTTTTGGAGTCACC  
AACGGGGGTTGATTTTCGTAACGACGTCGGATTACAATACAAACGGAGACAAGAGCACGGCGGA  
AAACAACCTACGCGTTTTTGGGAATTGGTTGGAGAGGTTCCCGGAGTACAAGACCCGGGATTTCTATATCGCC  
GGCGAGAGTTACGCCGGTCACTACGTCCCTCAGCTGGCTCACACCATTCTTTCACACAATAAGAAGGCTGGAA  
AGAAAATCGTCAATCCCAAGGGCATTATCATTGGAAACGCCGTGATCAACGATGAAACAGACCAAATAGGAA  
TGTACGACTTCTTCGCAAGCCACGCACTAATCGCCGACAGAACCGCAAAGGACATAAGGAAATCTGTAATTT  
CACGTCCGACGAGGCGGTGCAGAATCGGCAATGCATAGATGCGTCGAACATGGTAGAGTCAAACATAGGCG  
TAATTGACATCTACAACATCTACTATCCATTATGTCAGAATACCACCCTGACAAATGTGCCTAAGAGAGCGTCG  
GTGTTGAACTACGATCCTTGACAGATTACTACACCTACGCTTACTTGAACCGGGCCGACGTTCAAGGCGA  
TGCATGCTAACGTCACGAAGCTTTCGTACGATTGGGAGCCTTGTAGCGATGTCATGCAGGGGGTGGTCCGAT  
AGCGCTTCTACTGTTGTTCTTTGTTGAGTGAATTCATGGCTTCTGGCTTACGAGTCTGGGTTTTCAATGGTGA  
CTTCGATGGGAGAGTACCCATTACTTCCACCAAATATTCTATCGACTCAATGAAGCTTCTGTGAAGAAATCTT  
GGTACCCTTGTTCAATGCTAATGAGGTCGGAGGGTATGCTGAAGTGTATGAAGGGGAATTGACATTGGCAAC  
AGTGAGAGGGGCGAGTCATGAAGTGCCAAGCTACCAACCAAGAAGAGCACTTCTACTCATCAAACTTCCTT  
CGTGGAACCTCTCCCTTCTTACATCGTCGCACCACATAACCTTATTTCCATCTATAATTTGAGTTACCATTC  
CTAATATTTTTCAGATTTGGTCTTATTACTTCTCTATTTGTTGTTGCATTTCTTTTCAATAAACTTGTTTTAGGG  
G

>trans\_c\_162 BT020187|Arabidopsis thaliana At1g65020 mRNA, complete cds

GGACGAAGAGAACTTTCTAACAAAAACGAACTTCGAAATTCGCCGATAACACCCAACGAGTTATCAAGAG  
ATCGATCATGTGGTTCGCAATTGTCGGTGGACTGGTCGTCTACGGCCTCTTCAAGCTTTTCTTCGCCGGCGACG  
ACGATGTTATGGAGGTTGAGACCTCCGATTTTAATGCTATTTTCGCCGTCGCGAGTAGGTACTTCATCTTTACT  
TCATTTGAGCTTCTATATTTCAATTTTTCTCTCCCCCTTGCTGTTCATCAATTGTTTTGTAATTCATTGTTTAG  
ATTCTGATACAATCGAGTAAGCAGACAGGACCTTGATGATTGACTTGTTAATTGCATCGGAAGTGTATGAAAC  
TCCCGATCGCCCTTGCTGTACTTTCTGTTTGTTCGTTCCACTTCCCTTATTTTTCTAATTCACAAAATGTGTCGTT  
CAGATGCTTTCCCTTATTTTTCTTTTGTAGGTTGAAAAGCTTTATGGTGGAAAGGCTTACGTTGGGCTTCGG  
ATTCTGATGCTGACACCGGTTCTCGGCAGAACATTGATCTCGTAGTGGTCACCAAAGAGGAGTTATTGGTGA  
TATCAGTTAAGAACTTATCGGGATTTGTCTCCATCAATTCGGATGGTTCCTGGGTTTGTGATGATGGGAAACAT  
AAGGCAAAGACTCTTCTGATCCTGTTGAAGAGACCAAGCAGTTGATACCAGTCCTGGAGTCTTACCTTGAAC  
AAAGAGGAGTGGATGTTCCAGCAGGGTATTTGTCATGCAAAGTTGTACTTCAAATCCCAAATCCGAACAAT  
TGAATCGGGGTTATTTCTTCTGAAGTTATTACCTATGACCAGTGGATGCAGCTGAAACCAGGACACAGTTCTT  
TCTCTGGCTGGATGAAAGGTGCATTTCTGGAAGAAAGAGTTGCAGGAAGAACCTCTGGATCAAAAGCTTA

AAGCTATACTTGGCACTGCACCAATGTGGGATAAATTGGAGCTCAAAGGGAAATATATACTTGGAGACTTTCT  
GGAATTCAGGGGCAAGGAAGAAGATGTTGACTATTTGAGAGACATCAAACGGTCAAAAATTAGTCATCTGAC  
CATTCAAAGACGAGCATGCTTGGATTTGCTCCTACAAGATTGCAAGTATTGTACGCTCCACGCGACTATCGA  
AGTGGGGGCTCAGCTTCATCTTCAGAGTGAGGGAAGTGACAGTAAGATCAAGCACAGAGATTTTGTTCAG  
CCTCAAATTCTACAAAGTTTCGTAAGTTCAAACCTCTTCAGTTATCTCCTTGACCCTCAGTGCTTAGAGAGAT  
GGCCTTGTTGTATCTATCACTTTGCTTATTATCAATTCCTTAGTGGCTGGCTGCTGTACTGAAGTTGCATATCA  
CAAATAGTTTCAAGGGTAGACTGCATTCTAAGTTATTAAGTATTATTAGAAGAGAAGAAGTTAATGGTGTCT  
ACCTTCTTTTTTATTTTCGTTTGACATGCTTGAAAGTTGAAAAAGAAGTTGAAAAAGGGTCTTTTGTCAACTTG  
TCGACATTTCTATCAAACATTTTCACATGTCAATGGAGTTAGGCATTGATGTTACAGGTGAATCAGAATTTCCA  
TGTTACTTTGTTACTGTAATGAAAAGGAAATCAATTAATAGAAAAGATTAAATTATAAGT

>trans\_c\_163 AB189169|Oryza sativa Japonica Group OsIDHc;2 mRNA for NAD-dependent  
isocitrate dehydrogenase c;2, complete cds

ACACAACGATTGGTGAAGGATATGAGTTTCACGTAAATGTAATGAACTGACCGCGCTGGATAATACCTCTCC  
ATTTCTTCCTTTCTTTACGCTGTCTAACGCTGAATTTATTTTCTCTCCTTAGACCTTACCAACTCCGGCGACTC  
CCTAATGATCGATCTCAATTGTTAGACGTAAACCGTTGGAACCTAACCAGCCAGCTCTAGCTCCCAAAGACCC  
TTTTCCAGCGATGGCTCGAAGATCCTTACCATCCTCAAGCAGCTCCTCTCTAAATCCCCCTCTTCCGAGAATCC  
TGCGCTTTTGTCTCATGTTTCAAATCCTCAATCGACGCTCAAATCGATCCGTCACCTACATGCCCCGACCCGG  
AGACGGCGCCCCCTCGAGCTGTTACCTTGATTCCCGGAGATGGAATTGGGCCCTTGGTTACTGGCGCCGTGGA  
GCAAGTCATGGATGCGATGCACGCTCCTGTGTATTTTCGAGAAAGTTTGATGTTTCATGGGGATATGAAGAAGGT  
GCCTCAAGAAGTAATTGACTCGATTAAGAAAAATAAAGTGTGTTGAAGGGAGGATTGGTGACACCTGTTGG  
TGGTGGTGTGAGTTCGTTGAATGTGCAATTGAGGAAAGAGCTTGATCTTTATGCGTCGCTTGTGAATTGTTTT  
AATCTTCCTGGGCTTCTACCAGGCATGAGAATGTTGATATTGTTGTGATTAGGGAGAATACAGAGGGTGAGT  
ACTCTGGGTTGGAGCACGAGGTCGTTCTGGCGTCGTGGAAAGCCTTAAGGTGATAACAAAGTTTTGTTCTGA  
GCGCATTGCTAAATATGCTTTTCGAGTATGCTTACCTGAACAACAGAAAGAAAGTTACAGCTGTGCACAAAGCA  
AATATCATGAAGCTTGAGATGGTCTGTTTCTAGAATCTTGTGAGAGGTTGCCACAAAGTATCCTGGAATAA  
AGTACAATGAAGTTATTGTCGACAACCTGCTGCATGCAACTTGTATCAAAGCCTGAGCAATTTGATGTTATGGT  
GACACCCAATCTTTATGGAAATCTTGAGCAAACACAGCTGCTGGTATTGCCGGTGGAAACAGGGGTTATGCCG  
GGAGGCAATGTTGGTGTGATCACGCTGTTTTTGAGCAAGGAGCTTCAGCAGGAAATGTGGGGAATGAAAG  
GCTTGTGGAACAAAAGAAGGCAAACCTGTGGCGCTGCTCTTATCATCCGCCATGATGCTTAGACATCTCCAG  
TTTCTTCTTTTGTGATCGATTGGAACAGCAGTCAAGAAGGTGATATTTGAAGGCAAGTATCGAACCAAGG  
ACCTCGGTGGACAGAGCACGACACAGGAGGTCGTTGATGCAGTCATAGCTTCTTTAGATTGAGATCAACTAA  
GGGAGAATAACTTATCCCACCATTCATAAACAGTTTTTTTTTTTACGATTTTTTGGTGGTCAAAAATCCACCAAA  
TTTGCCTTTCCTTCGAATTATATATATAGTTTTTGTGTTTGAAGTTTCCCAAGATCTCAGAGTTGGGAATGCG  
TTTCTTGTTTCAATAATCTCAATTCAAGACAACAAATTTGTGCTGTATTAGATTTGCAAAAAATCTGAAGAGAG  
CAATTTTTATTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_164 BT010615|Arabidopsis thaliana At1g34320 gene, complete cds

AGCAGACAAGAGAGAAGAACTGAAAGTTTTCACTTGTGAAGTGATTCGCTTTGGCAATCGATGCAAAGATCCT  
CAGTGGCACCAATTGCACCGCTATTTGAAAAGTTTGTTTCAGAAGTTACACAACAAAAGCAATTGAAGGATG  
ATGCTAATGCAGTAATGCAGCAGATGATGACATATGTACACTACACAGCAGAACTTTATCATGAGTTACAAGC  
CTTAGACAGATTTGAACAAGATTACCGGCGGAAGCTTCAAGAAGAGGATAACTCCAACACCGCTCAGAGAGG  
AGATAGCATTTCATCTTGAAGGCCGAGTTAAAGAACCAAAAGAAGCATGTCCGGAGTTTGAAGAAGAGATC  
TCTCTGGGCCAAGATACTGGAAGAGGTGATGGAACAACCTTGTGGACATAGTGCATTACTTACACTTGGAGATT

CGTGAAGCCTTTGGTAGTGCTGATGATGATAAACCAGCCAAAGGTTCTCAGAGCAACCACAAAAAGTTGGGG  
ACTGCTGGTCTCGCTTTGCATTATGCAAATATTATTAGTCAAATTGATACACTTGTATCTCGATCAAGTTCTGTA  
CCTCCTAATACGAGGGATGCTTTATATCAAGGACTACCTCCCAGTATAAAGTCAGCATTACGCTCAAAACTACA  
GTTATTTACCCCAAGGAAGAGCTTACAATTCCTCAAATCAAAGCCGAGATGGAGAAAACCTTACATTGGCTT  
GTTCCCATTGCCAACAACTACCAAGGCTCATCATGGATTGGTTGGGTTGGTGAATGGGCAAATACAGGGG  
GCTGAAGCCAACCGAAAACCTTCTGGCCAGAGTGAGTTACTAAGGATCGAGACACTCTATCATGCAGATAAA  
GAAAAGACCGAATCTTACATTCTTGAGTTGGTGGTATGGCTTACCATCTAATCAGCCAAGCTAGAGCTTGT  
ATACTGGAATAAGGTCTCCTGTCAAATCCCCAATTAGATCCCCAAATCAGCGGACGATTCAAGTTATCGAACCA  
GAAACCAAGTTCACGATCTCCGACGTTGACTGTAGAAGACCAGGAGATGCTTCGATATGTGAGTAAAAGGAA  
ACTTACTCCAGGAATAAGCAAGAGTCAGGAATTTGATTCAAGCAAAAACCAGGTTAAGCAAGCACCATAGGCT  
AAGTAAAAGCAGCAACCATTCCCCAACCAATGAAAACAAAAAGGATCCCTTCCCCCTTGAAGGCCAAACTCC  
GTCCAGTTATTGATTTTGATATTGACCGCATGAAAGCTTGGATGTCATCGATAGAGTCGACAATATCCGAAG  
CTTTTCATAATCATCCTGGATTGAAGTTCAAGAAAAACAATCACTGCTAGTGTATGCATAAGGTATAACATGCC  
ATTTTCCAATTTGATTCTGTGCTTGGTAGTGTATGGGTGAAGGAGAAGAAGATTGTTGTTATGAGATGAA  
TGGAAGGAAAATTTTAAAGGGTTTGTCTTTTGGATGTGAAAATATATAAGGGTAATAGCATGTTAATGTCA  
GGGACAGCTTTAAATAGTTGTAGAAATTGTGAGAGGTTTCAGATAATAGTTTATTTTCGGTTCTGTGTATA  
GAAATACTTTTATTATTCATAATAATTGAAAGGTATTTATGGATTCTTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_165 AY395743|Vitis aestivalis protein kinase-like protein mRNA, complete cds

TTTAAATTCGTTTTCGATTTCACAATTTATCTTTTAAAAAATTCATATATTTTTCCAATCTGTTCAACTTCCCTT  
TTTTGATTTGATGCTGCTGTTGAAGTTCATCAAACTGCGAGAAAAGGAGATTGTATTCAGCATGATTGGAT  
TCCTTGTTCTGGAAATTCAAACAGGAACTCAAGTCCAAGAAATTGAAGAAGTTGGAATCTCAGAACACTCGA  
GTTGATCCGACCAACGGGAACTAAAGACAAGTTCCTCCTTCAGTGAAACCTCCAAAGGTGGAGGATCTGAA  
CCTATCAAGGCACAGATATTTTCTTCCGGAGTTGGCAGCTGCTACCAGGAATTTAGGGCAGACTGTCTTTT  
AGGAGAAGGAGGTTTTGGTAGAGTTTACAAAGGAAAGTTGGAAGCATTAAATCAGGTCGTGGCAATCAAAC  
AACTCGATCGCAATGGGTGCAAGGGAACAGAGAATTTCTGTTGAAGTGTTGATGTTAAGCCTACTTCATCA  
CCCAATCTAGTTAATCTGATTGGTTATTGTGCTGATGGAGATCAAAGGCTTCTGATATATGAATATATGCCTC  
TAGGATCTTTAGATGACCATTACATGACATTTACCTGGTACAAAAGTTCTAGATTGGAATACAAGAATGAAA  
ATAGCGGCTGGGGCAGCTCGAGGATTGGAATACTTGACGACAAAGCTAGCCCACCAGTTATTTATCGAGATT  
TAAAAAGTTCCAACATTCTGCTTGACAAAGGTTATCATCCCAAGCTGTCTGATTTTGGATTAGCTAACTTGGG  
CCTGTTGGGGATAATACGCATGTATCTACCAGAGTTATGGGTACTTACGGATATTGTGCTCCCGAATATGCAAT  
GACTGGTCAATTAAGTCTCAAGTCAGATGTTTATAGCTTTGGTGTGTTCTTTTAGAAATCATAACAGGCAGGA  
AAGCAATTGATGATTGCAAAGCTGCAGGGGAGCAAAATCTGGTTTCATGGGCAAGACCATTGTTTAAAGACC  
GTCTGAGATTTGCGCAAATGACCGATCCAATGCTTAGAGGCCAATACCCTTCAAGGAGTTTATATCAGGCTCTT  
GCAATTGCAGCAATGTGTGTTCAAGAGCAGCCAAATATGCGACCTGTGATCGCCGATGTCGTACAGCTTTAT  
CTTATCTTGCTTCTCAAAGATACGATCCTGGTATTATTTTACCAACGACTCCCCTGGATCTGCCTATACTCCTCC  
AAGAACCAACAGAGATTCTGATAGGAACTTAATGGAGGTAGAAGATACGACAGAAATCCAATAACGACT  
ATAATGATGCTTGTCTTCACTCCATCACAGTTTTTCCAGCCACACCGTTGGATATACTACGAGGAGTACCAAA  
GGTGATTCAAAAGCTTGATTGAATGCACTAGATGGTGCCTGCTCGAATATTTACAAGAACATCATCAAATCAG  
GTGCATTTCTATGCTCCATTTTGCATTTGTTTATAGAATATAGAGATAGGGTATATATATATTTACACACTTGGT  
TTTTGTATGATGATTGTTATCCCTTTGATATTAGTTAGGTATAATTACTTGAAAAGTGGACTGAGATTTTCTAA  
GTTATAGGAATTGCGACGGGTACTTCTGCTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_166 XM\_002885009|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nodulin MtN3 family protein, mRNA

AATTAACGAAATCCCCGTAAAGTATCATTCGGGTCTCCCCCTTTCTTCTTCATCGTTCTCTCTCGCTTCTGGGG  
TTTCATAATCGATCCCACCATTTGATTTCCGGTGATATTCCGGCGGAGATATACGTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTT  
CTTTTTTTTGTGGTGTGTCATTTGTTTACAAGAGACGAAGAGTTTTTGTGTATCTTCAAAGTTATTTTAGATG  
GTTCTTCTCGGTTCCATCTTCTCAATTTGCAGGGATGCAGCTGGAGTTGCTGGGCACATATTTGCTTTTGGGCT  
TTTCTGTACCTTTAGATACATTTAGACGTGTGATCAGAAACAAAACAACAGAACAGTTTTCGGGTTTGCCAT  
ACATATATGCTCTGTTAAACTGCCTTATTTGCCTGTGGTATGGCACACCCCTCATTTCTCCGAGAAACACGATG  
GTCATGACGGTCAATTCGATAGGCGCAGTATTTAGTTAGCCTACATCTTGCTCTTCATAACATATGCTGAAAA  
GGGGAAAAAGATAAAAAATGCTAGGATTGTTGCTTGGAGTATTTGGCCTTTTTATAGTTATTGTTATTGGGAGC  
TTACAAATAACTGACCTCCCCTTGCGACGGAATGTTGTCTGGGATTTTGAGTTGTGCATCTCTCGTATCAATGTT  
CGCCTCTCCCTTGTTTATTATTAATTTGGTGATTTCGAACGAAAAGTGTGGAGTTTATGCCATTTTATCTCTCCCTT  
TCGACCTTCTCATGAGCATATCTTTTTCTCTATGGACTGTTCAATTACGATCTATTCGTTTATGCCCCAAATG  
GAATAGGAAGTATGTTGGGGAGTGTTCATTTGGTGTGTTGTTGCTACTTCAGTCGAGTTGCTAGAGAGGAGTC  
TAGAGAACCTCTAATTGTATCATATGCGTAGATACGTACATTGTGTATTTACATCATGATAACGAGGACATGGT  
GTGGAAAATAGGAAAACAGCCAATCTGAAAATGTTTTTCATTTACCGCACGAACAACAGATTTCCAAGGGTTG  
ATAATTGGTTCCTCCACAGCATCCGTGTGCAGTTCGTTGTTAGCCAATGAACCGTTATCGGGCTACATTGTGTT  
TTGTTGTAAAATTACCTCTCCATTAATTTCTTCATTTTGATTGATTGGTTTGTGTTTTTCAACCCACCAATCACTTAA  
ATGGCGTATTTTTAGACAACCAACCCCAAATCTCAAGAGTGAAGAATGTTGTAATGTTTTTAGCCTTGTGAT  
TTAAAAGCTTTGCTCCACTGCTCTGCTTCTCCACTCTCACTCTCTGTCTCTCTCTCTGATTTTGTGTTGAATATGA  
AGAATCTTGATCAGATAAGAACCAAAAGAAAGGACAACGAAGGAAGTTTAACCATCTCCGGTAGGTTCTTCT  
TCCAAGTTTACTCGTTGATTTGGGATAGAGCTTGGATTTAACTTGGCAAAGTTCGGCTATATGTCAATAAGTA  
CAGCTTGTAAGTTGTTTGAAGTTAGTCTTTAGCTACTTGTTCATTTTATATCATATTTGAATAATTGTATCGATT  
CACTTGATGAAGTAAACAGAAAGCTCACAGTTTCTAATGCGTGGCTAGTTCTAACTTTTAATAAACTTTTTCT  
TTTTAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_167 NM\_001067444|Oryza sativa Japonica Group Os08g0128200 (Os08g0128200)  
mRNA, complete cds

AAAACCCCTAATTTGAAAAAACCCATTGAACCAACAAAGAAGAGAAGTTCCAAGTTTTCTGTTGTTTCAAACAA  
CTTTGATCTTCAACTTCAATGGCTGAGCTTCGTGATCAAGTAGATGTCGAAGACCCTCAAGCCCATATTCCACT  
TCTTGAATCAAATCACAATCAGAGTTCACAACCGACAAAGGAAGAAGACGACGAAGAAGCCCATTTGGACAG  
TGCCTTCAAATGTTTCGACACATTGCTTGGCCTTTTGGGCTTCCATCAATCCTCTGTTTTAGCTGTGTCTTGTCT  
TGGTCTGTTTTTGTCTTGTGTTGGTGTGTTCTGCCTGTTGTAGTGCTGCAGCTTTCGGATTGCGCCGCTACGAG  
AAGTACCAGATTAAGGATTTTGAAGCTTGTAGTTGCCTCTCATGCTTGTCTTGCAGCTGTTTCTTTGCTCTGT  
CTTTCTCACAACCTCAGAAAATATGGCATAACGAGGTTTCCTTAGTGTTGATAGACAAATCACCTCTTTGGCTAG  
GTTTCGAAAAGAATACGTCAAGAAGATACGGGGTTCAATACGGTTGCTCATCTTCTGGGCATTACCATGTTTCC  
TTTTGAAGACTGCTCGAGAGGTAATTCGAATACTATATGCGGAACGTTTATCGTGGGGGCTATCAGTTGCTAC  
CATACTGGCTATGGTCATATCCTGGACTTACCTGACCTTGATCTCTTTATCAGCCGCCATTGTGTTTCATTTGAT  
GTGTAATTTGCAAGTTATCCACTTTGATAACTATGCGAACTCTTGCAAACCTGAGTCTGAAGTATTAGTATAAA  
TAGAGGATCATATTTCTACGCTATCATTTGTCCAAAATAAGCCACAGATTCCGAATATTTCTTCTCTCGACT  
TCTTGGTTGTATCTGCCACCAATTTATGACTCTATTCCAGACGACGAGATATACTACAAGGGTTACCCTCTTAA  
ATGGTGGTGATTTTGCAATTTCTGCAATTGTTCAAGTGGTTGGAGTGATTCTTTGCTTGCATGGAGCAACAAA  
GATTTCCACAGAGCTGAAGGAATTGCATCAGTAGCTAGTAGATGGCATGCTTTAGTCACTTGTGGTCCAGGT  
GAAGTTTCTCAGCTCGATATCCAAATGGTAACGGGAACCTCGGACTCTCCTGATAGACTGAAATTAATGACTT  
GCACCTACTCTGAAAGTGATTTGGAGTCTTTGGATATTGTTACAATGCCTACAACCACACAGCTAGCTTCTTAT  
ATGTCCTCCTATCATAAAAGAGAAGCATTTGTGATGTATTTGCAGATGAATCCTGGTGGAATCACCATTTTTGG  
GTGGACAGTTAACAGAGCTCTGCTGAACACTATATTTTTCTTGAAGTCACTTGGTCACTTTGTGCTTGGGA

AGACTTTAGTTTTTACCTGAAGATGTGAAGTATCAGAAATTTCAATGGCTGCACAATCGGGTTTTTTGTAAAA  
CCCTTCAAAGCCAAATTTATACATGTAAAAATTATCTTTGTCTGAGAAATTTGTTCTGGTCATGTTTTCTTT  
TTCTTTTGGCCGGTGGTCGATCCAAATTGTTGAGGTTATTTTCATATCCTCTGGATCCGGGCAGTTGACAGTC  
TTCTGTATAAAGCAATGTTGTTCAAATAAACTTCTCATTTCTCATTTCC

>trans\_c\_168 DQ013361|Lotus corniculatus var. japonicus geranylgeranyl hydrogenase (GGH)  
mRNA, complete cds

AAATGTGAATCCCTTATTAGTAATTATAATTTAAAAATTTAAAAAACGAAAAAAGGGTATCCTAAGAATCCAGT  
ACAATTATCCATTTCTCATATCCACCGTCCATTCTCTCCATCCAACGGCTAACAACACTCATATCTCAAACCATA  
TCCATTAAATATATAAAAAATCACACAACGATGCTCCCCACAGCCATTACTCAACTTCCAGCTTCACTCCTTGCTG  
CTCCGACGAAATGGCCTCCGTTGCCCTCAAATCCTTACC GGCCCTCCGACAATCTTGAAGGAGAAGCCCCATT  
TCATTACCCAAACGAAGGCCAACCCAAACCCCAATTTGGCGCCGTTTTTATGTCGCCGCTGCGAAAAGTAGT  
CCTAAAATCGCCGGTCGGAACCTCAGAGTTGCGGTGGTTGGCGGCGGTCTGCTGGAGGATCAGCAGCTGAA  
ACTCTCGCCAGAGGGCGGCGTTGAGACTTTTTTGTTCGAGAGAAAGCTTGACAAGCTGCAAGCCCTGCGGTGGTG  
CGATTCCTCTGTGTATGGTGGGTGAATTCGATCTTCCGTTGGACTTGATCGACCGTCGTGTCACGAAGATGAA  
GATGATATCTCCATCGAACGTCGCAGTCGACATTGGCCAAACCTTAAACCTCATGAGTACATTGGGATGGTT  
CGGCGGGAGGTTCTGGACGCGTATCTTCGAAATCGAGCCGCTGAGAATGGAGCTAATGTGATTAATGGCTTG  
GTCATGAAATTGGAACCTCCGAAGGATCAAAATGCACCGTATGTTCTTCATTACACTGCGTACGACGGGAAGG  
TAGGAGGTGTCCGAGAGAAGAAGACATTGGAGGTGACGCCGTGATCGGTGCGGACGGAGCTAATTCTCGT  
GTTGCTAAGGCCATTGACGCCGGCGATTACGATTACGCCATAGCATTTCAGGAGAGAATCAAAATCCCAGATG  
ACAAATGGTATACTACGAGAATCTTGAGAGATGTACGTAGGTGACGACGTGTCGCCAGATTTCTACGGTTG  
GGTGTTCCTCAAAATGCGACCATGTCGCGGTGCGGACCGGCACGGTGACTCACAAAGCCGATATAAAGAAATT  
TCAAATCGCCACACGAAACAGAGCAAAGGACAAGATCTTAGGAGGGAAGATCATCCGAGTTGAAGCACATCC  
AATCCCAGAGCACCTCGTCCCCGACGTCTAGCCGGGAGAGTAGCACTCGTCGGGGATGCAGCTGGGTACGT  
GACGAAATGCTCCGGCGAGGGGATATATTTGCGAGCTAAGAGCGGGAGAATGTGCGCAGAGGCAATCGTTG  
AAGGATCGGAGAATGGGAAGAGAATGGTGGAGGAATCTGACTTGAGGAAGTACTTAGAGAAATGGGATAA  
AACGTACTGGCCGACTTATAAGGTGCTGGATGTGTTGCAGAAGGTGTTTTACCGGTGCAATCCGGCAAGGGA  
AGCTTTTGTGGAGATGTGCGCCGACGAGTATGTGCAGAAGATGACATTCGACAGTTATTTGTATAAGAGAGT  
GGTTCCTGGGAATCCATTGGAGGACTTGAAATTGGCTGTGAATACCATTGGAAGCTTGGTGAGAGCTAATGCT  
TTGAAGAGGGAGATGGAGAAAGTTAGTTTATGAGAAAAATCAAATCTTTAATTTCCCAATCTTATAGATTTTGT  
AGATGGGT

>trans\_c\_169 XM\_002890404|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein binding protein,  
mRNA

AGAGACAGAGGCGGGGGGGCCACGAACACCAATTTCTCATGTTCTTTTTCTTATTGATTTTTAGAATTTCTTTT  
CGTTTTCTCAAGCTTCTTCTTTGTTTCATCTTTATGATTCAATAGGATCTTCTTCTTTTTCTTTTCTCCCAAAG  
ATCAGTAATCATCAATTTCTTCATTTCTGATTCTGCTCGTTCTGTTTTAAGAATATTCTGTTTGAAGAGA  
AATTCTCACGCTTACTTTACTTTTTTCCATCTGGGATCGAAGTTTCTAGCTCTAATTTTGATCCCATTGTTTCTAA  
ATTTGTCATTGCGTCTGCAATGGACGAGTTTGGGGTATTGACCGAAAGATTGGATTGAAGCCGCAAGGAAA  
ATCGGCTCCAATGGCTGCATCTAAGCAACCTGCTTCTCAAACACCTTCCACTCTGGGTTTAATTCCGGTTTGAA  
TGGTAAATCCTCCCTCGATTCTGGTTTTGTTGACGTATCGTTTCAGAAAAACACTAAACCCGACTTTACGCTG  
GGGTTGATGATATTTTCGGGAGTCTCAATCAGTCAACGAAACATTTGAGGAATTCTGCAAGTTCTCCATCTTCT  
TTTGACTACGATTCCATATTTTTTGGGTCCAAGAATTGAGATCCAACATATGATGATATGTTTAGTGAGGATTGC  
TGGATTTAAGAGCTCGGGTACAGCGAAGAAGGAGGATCCGGTCCGATCATTTTCCCCATCTTTGAATCATACC



TCTCAAATTGATGACTTGTTTGGTGATTTTAGCAGCAATGTGGTGAAACCAACTCCTAACCCGAACGGAATAA  
AAAGTGCACCAAATAACGCTGCCCCTTTTGATGAATTGATTCGGGCTTTGATGATAGCAAATCTCGAATTAAC  
AGAGCAAGCATGCAGGACAATCTGACCCAGCAAGCAACTTCTCATTCTAAATCAACTTTCAGTTCAGCCAGAG  
ATCCTTTTATAGAATTAGAATCGGCTTCAATACCATCATATAATTTCGTCTGAGGCTTTTCAGATCCGCTTGAGG  
AAATGACCAAGTTCATAATAAAATTCGATAACTCTACAATTCTCCCCACCATTTCAGGGTTCCTCCAGTACCAA  
AGCCAGGTCACAAGGCAGTTAAAGTTAAGAGTTCCTCTCTCTCTCTATTGATGAATTGGAGGACTTTGCAAA  
GGGGAAGGTGCGGAATAACAGTGAAGGGAATGTGGATGCCTCAACACGCACAACAAATAAAAATAGTAAAG  
ATGCACATACTGCAGGACTAAATCATCAAAAACTGTTGATGATCTGGACTCCTTTTTCAATGTGGGTCCTCGA  
TCAAAGAGTGCTCCAAGGTCACGAACAACAACCTCCGGATCCTCTGTTTGACGTTCTTAAGCACAACAACCAC  
CTGAAATACCCAAACCCACTCCCTCAGCTTCCTTTTCCACATAAAGAAATCTTCTTCAGCTGTAAATTTGTGG  
ATGATCTTTTTTTTCGGAGGTTCTCCTTCATTTGGACATTTTGAAGAAGTTGATGGAGAAAGTGAACAAAGAAG  
AAGAGCTAGATTAGGGCGTCTACAGAGGACCAAGAGCGTGCAGCAAGAGCAGTGGCTGATTTGAACGAGC  
GTGACTTTCAAACACAGCATGAGCAAGAAGAGAAGCGTAGGATTGCTGAATCTCT

>trans\_c\_170 NM\_112305|Arabidopsis thaliana CID9 (CTC-Interacting Domain 9); RNA binding /  
protein binding (CID9) mRNA, complete cds

TCCCCACAATCTTCACTCACTTTAAGGCGCACTCTCTCTCTCTTTTTCTGCTAGAGAGGAATAAACCCCCAAGA  
GAGATGTGAGTTTGGTATTAGTAGGCCAAACCCAAACCCAAATTCTCAATTCCTCCTTTCTCTCTTTTGATCA  
ATTCCCCTTCCCAAGAACCTAATTCACCTTTCTCTTTGATTTTTTTTCAAAGAAAAAACTATTCTTTTTCTT  
CCCCATCTTCCATTCTGGCCTCTCTCAAATGGGGTCTCTTCAATTCTTCTCTTAAATGTCATCCTCCATCATCC  
CAATTGGAGTTTATCCGATTGAGAATTTCAACATGGACTCACACACCCTTTCTTCCATTTCATTTTGTTTGCTA  
ATTCTCTCTCTCTTTTTGTATATTATACCTTATATACACTTTATATAAATATATATTTTTTTCCAATTCTGTTTT  
TTGTCATCTGCGTTTGATTCTATGGCCGCGTTGCTGAGGATTCCAGTGAGGCAGCGGCTGTCAAGAATTTTG  
ATCATAACATGAATCCCAAATCAGAATTTGATGCTCATAAGCTTGCTGAAATGTTGAGCAATTTGAACCTTTG  
GCTAAGGAGTTTTTTCCATCCTCTTATTCTCATCATGATCGCCAAGATTTTCATTTTACTATCAAAATAATAATC  
GATCGTTGGCCAAGAACTTTGAGTTCGCCGATCACTGTTGCATAGTGATAACAATCGCAGGAGAAGGCCCG  
ACTTTAATAACCAGGGGAGAAGAAGAAATGAATAATAATAGATCTGTGAGAGCTCAGCAAGAGGAAAGTATAA  
GGAGGACCGTTTATGTATCTGATATTGATAAGGATGTCTCTGAAGAGGAGCTGGCTAAGGTATTGAGAGAATT  
TTGTGGTTATGTTAATGATTGCCGAATATGTGGCGACCCCCATTGAGTTCTTCGTTTTGCTTTTGTGGAGTTCGC  
TAATGAGCATAGTGCTAGAGCAGCCATAGGCCTTAGTGGGACGGTGGTAGGGTCTTATCCAGTTAAGGTATT  
ACCTTCAAAGACTGCTATTCTTCTGTCAATCCTACCTTCCCCCAAGTCAAATGATGAAATGGGATATGTGTA  
CAAGGACTATCTACTGCACAAATATTGATAAGAAGGTATCTCAGGCTGAAGTTAAGAGTTTCTTTGAAACATCT  
TGTGGTGAGGTAACCTCGCTTGAGGTTGTTGGGTGATCAGTTGCATTCGACCCGTATAGCTTTGTAGAGTTTG  
CTCTGGCAGAGACTGCTCTCAAGCACTCAATTGTAGTGGCATGATCTTGGGTACTCAGCCTATCAGGGTAAG  
TCCGTCTAAGACGCCTGTTAGGCCACGAGTTACTCGGCCGGAAGCATGAAGACACCTTGAAAAGCAGAGTC  
TCCAATAGGAATGGATGAAATTTCAAACAATGTATGAATTGTCCCAAAGTGTGGTGATACTTTTCATTACGAT  
AGTTGGTTGGACAATGAAATTCAGACAACCTGTGAATTGTTGAAGTGTGGTGAAACCCATTTGTCACAAAAG  
TTGGATATAGCTTATGTGGCTGAACCTTGTTCATAACTCTTCTTCAATTGAAGTTCCATTTGACTGAGTTTCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_171 NM\_118513|Arabidopsis thaliana glycoside hydrolase family 28 protein /  
polygalacturonase (pectinase) family protein (AT4G23820) mRNA, complete cds

AAAGCCTCCTTACCGATTCTACTCTTTCTTCTCGCCATTTTCTTCCATTAATTAACAAAAATCCTCAAATCTTTTC  
TCCATTTCCACTTCCCTTCTTCGATCTTTCTCCTTGTTTTACTCTCAGATCTACTTCTTCTCTTTAAATCCTT

>trans\_c\_172 NM\_111096|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein (AT3G02290) mRNA, complete cds

[illegible]

GTGTTGTGAATGATTGAAAAACCTTTCCATTCCATGTTTGGTGTATCTACCTGTTTTCTTTCTTTCTTTCTGG  
AAGTGAAATATGCTCACCTTTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_173 D70895|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for 3-ketoacyl-CoA thiolase,  
complete cds

TATTCTTTCCGGACAATCCCATTCCTCCCACGACTTCATACCTTATGGAGAAAGCGATCAACAGGCAGAACAT  
TTTGCTACATCATCTCCGGCCTTCTTCTCCGCTTACAGCCATGAATCTTCGCTCTCTGCATCGGTTTGTGCAGCT  
GGGGATAGTGCTTCGTATCAAAGGACATCGGTGTTTGGAGATGATGTCGTGATTGTTGCAGCGTACCGTACT  
GCCCTTTGCAAATCGAAGCGTGGTGGCTTCAAGGATACTTATGCCGATGATCTGCTCGCCCCTGTTTGAAGG  
CATTGATAGAGAAAACTAATTTGAATCCAAGTGAAGTTGGGGATATTGTTGTTGGTTCTGTGCCTGCACCAGG  
CTCTCAGAGAGCTAGTGAATGTAGGATGGCGGCTTTCTATGCCGGCTTCCCTGAAACTGTGCCCGTTAGA  
GTTAATAGGCAATGTTTCGTCGGGGCTGCAGGCCGTTGCTGATGTAGCTGCAGCTATAAGAGCAGGGTTTTAT  
GATATTGGAATTGGAGCTGGGTTGGAGTCGATGACTATTAATCCAATGGCTTGGGAAGGATCTGTCAACCCA  
AGAGTGAAGTCGATGGAAAATGCACAGAACTGCCTTCTCCAATGGGAGTAACCTCAGAAAATGTTGCCAG  
CGTTTTGGGGTGTCAAGGGAGAAGCAGGATCAGGCTGCTATTGAGTCTCACCGGAAGGCTGCAGCCGCCACT  
GCCAGTGGCAAATTTAAGGATGAAATTATCCCTGTTTCTACTAAGATTATTGACCCCAAACTGGTCAAGAGA  
AACCTGTTACAATCTCTGTGGATGATGGGATTCTCTAACACAACCTCAAGCAGATCTGGGGAAATTGAAGCC  
TGTGTTTAAGAAAGATGGGACTACCACTGCTGGTAATTCCAGTCAGGTGAGTGATGGTGTCTGGAGCTGTTCTC  
TCATGAAGAGAAGTGTTGCAATGCGAAAAGGGCTCCCCATTCTTGGTGTTTTCAGGACCTTTTCTGCTGTGG  
GTGTGGATCCTGCTATCATGGGTGTTGGCCCGGCTGCTGCAATTCCAGCTGCTGTCAAGGCTGCTGGACTTGA  
ACTGAATGATATTGATCTTTTTGAGATAAATGAGGCATTTGCTTCCCAATTTGTGTATTGTCGTGAGAAGTTGG  
GGCTAGATCCAGAAAAGATCAATGTCAATGGAGGAGCAATCGCCATTGGACATCCACTGGGTGCAACAGGTG  
CCCGCTGTGTTGCTACATTGTTGCATGAGATGAAACGCCGCGGCAAAGATTGTCGTTTTGGAGTGATATCAAT  
GTGCATAGGCACGGGAATGGGGGCGGCTGCTGTATTGAGAGGGGTGATTGTGTTGACGAACTTTGCAATGC  
TAAGAAAGTTGAAGGAGGTGTCAATCTTCTGTCTAAGGATGCTCGTTAGAACAGAACTTCATTGCCCTTTCACT  
AGTGCAAGACAGAGAAAGAATCACTCAATAAAAGGCGACTACACTTATAATGAAGATTGATTATTTATTTGG  
TTGTAATCCCAGCATTCCACCACCCTCTTTTTTCCATATTGAACACACCGAGTTTTTTTAGTGTCTTTGGTTGT  
TTCCAGAAAGGTTGCGTTATTTGTTGAATCAAAGGCGAATTGATCTTTAGACTTTTTGTCTTCGAGT

>trans\_c\_174 AF411800|Arabidopsis thaliana AT5g49210/K21P3\_8 mRNA, complete cds

AACCCTACTCTTATTTCTCTCTACTCTCACTCCCCAAGCTGCCATTTGCAAAATGCTTCCATCCCGAGTTCTAT  
GATCGACTTTTTTTTTAATTTTATGTTCTTCAATTCGAAAAGTTGAAATCTTGCTAATCCGACCTGTTTTGTTC  
GATATTTTTTTTTTTCCAAATAGTTTTGATTTTGAATCCAGAAGCTTGTACGATACCAATGGCGTTTGCGTCTG  
GTTCCGTGATCCGCAATGCAACCAATCTCTCTAATAACCTTCTTCGTTCTTCTCCACTTCCATCAAATCCGCTCA  
CAATAACAATCACCTGCAGACCCACGAATACTTGGAGGCGAACAGCTTTATTGGTAGCTGGCAGGCGCCGAA  
AGACCCCAAGGAAGCGCAGGCCAGACTTGCTCGGCTCCGAAGGGAGTACGCCAAGCAGGTGAAACAGGTAC  
GTAAGAATTACATCCAGGAGGTTGAACTCTTGAGGCTCGAAAAGGAGCAGAAGGACGAAGCCAAGAGGGAA  
GCGCTTAGGGTTGCCAATGAGGAACGCAAGAAGCTCAAAGCTGAAGCTGCTAAAGTCCGAGCAGAAGAGCG  
TAAGATTGCTGACGAAGAGTTCCGACTGACTTTGATGAAAGAGAGAGCTGAGAAGCTGGAGCATTGGAGAAT  
GATGGAAGAAGAGGGAAGAAAAAAGAAAGAAAAGAAGGAGCTTCTAAGACGGCAGAGTTCCAATTGG  
ATTGATGAAAATAAATTGGAAGAGAAGTTATTAGAAGCCATTGTTAATACCGTCACTCTCTGAGCTTTCTACT  
TTCCAGTAATAATTGCCAACTTTCTTTCGTTTTCTTGTGTTAGAAGCAATTTTTATTTACTGGATTCTGGCTGAT  
ATGTTTCTACATAGTCCAAGTTTTGACTTTTGTGATGAAGCACTCGAAATCTTGCGCACGGTCGTATCCTTTG  
TACTGTTATTATTATCATTAGGGAGAAAATCAGTTTCTACTCTGTTGTAGCATTTAAACTTCAAATAATAAT

TCTATCAATTTAAAAATATGTTATCTTCATTACAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATAAAAAA  
CCCCAACTTAAGGGGGGGGCCGGGAAAAAATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCAAAGG  
GCCCTTTTTTAAAAACACAGGAGGGAAAAAACCCGGGGTTACCCAAAAAAAAACCCCTTAAAAAAACCCCC  
TTTTCCAAGGGGGGAAAAAAAAAAAAACCCCCCCAACCCCTTCCCAAATTTTCCCCCCCCGAAAGGG  
AAAAGGGAACCCCCCTTAAACCCCATAAAAGCCGGGGGGGGGGGGGGTTAACCCAAAGGGGGCCCCCA  
TTTTTGAAGCCACAAACCCCCCTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTCCCAAGTTCCCGGGTTTTCCCGA  
AAAGAAAAAAGGGGGGGGCCCTTTTAGGGCCCAATAATGGGTTTTAGGCCCCCCCCCCCCAAAAA

>trans\_c\_175 HM122439|Malus x domestica ARF domain class transcription factor (IAA1) mRNA,  
complete cds

AAGAAAACACACAATACTCTTTTGTGCTTTCTGCTTAATGGAAGGCCCTTAACCCTCCCTCCCTCTCTCTCTC  
TCTCGTTCTCCCTCCCCAAATCATCACCTTCTGATCTTCCCTTCTGATCTACAGTTCTTCTAAGGTTAAAAACA  
TTTTGATTACATTGTATAAATATTTCAACTTTGAAGTTCAATGTCACCTCCACTGCTGAATTCTGTACAAGAGGC  
CCTTGGCAATGTCCCTGTAAGGGCTGCTTCACCTCAATGGACTGTCATTCCCAAATGGCACCAAAATTTAAAG  
AGCGGAACCTACCTCCGGCTATCACCTGTTCTTCGGTGGACACCTCTGAGGTGTCTAACTTGTACACGAGAAC  
AAAAGCAACCTCAATTTGAAAGCTACCGAGTTGAGACTTGCTCTACCTGGATCACTGTCACCTGAAAGACATC  
ACGAATTTACCTTGATAACCTCTGGAGAACCTGATGAGAAAACCTTACTTCAATTGCTTCCTTCAACGGATGGC  
TATAGTGTGGCATCACACAAAAATATTATTGCTGGCAGCAAAAGAGGTTTTTCTGATACCATGGAGGGGTACA  
CAGAGGAGAAAGGCCCTTTACACCGAAAGAAATTGGATGTTTCATGCAGCCAGTTTCAGATCCTGAGTCTCC  
ATATCCTGAGAGCCAAGGGAAGTTTCATGCCAGTTCAGGTATAAATGCAATGCTATCGTCCAGGCCGTCTGGT  
CCCCATCCAAATGCAACCAAGAATTGCCCTCAAAGGGATTGCAGGAATGGCCCTGTGAGACTAAAGGATCT  
GACAATGGCAATAAAGGTGCTACGAATGACCACAACAATGCTCCGGCTTCAAAGGCGCAGGTTGTTGGTTGG  
CCACCTATTAAATCATTCCGAAAAATTCATTGGTCACTAACTCTAAAAACAATGATGAAGTTGACGGAAAGCC  
AGGTTCAAGTGCTCTTTTTGTGAAAGTGAGCATGGAGGGAGCTCCATATTTGAGGAAGGTAGATCTGAGAAC  
TACTCTACATATCAGGAACCTCTTCTGCCCTCGAGAAGATGTTTAGCTGTTTTACTCTAGGTCAATGTGGATC  
CCATGGAGTTTCTGGGAGGGATAAACTGAGTGAGAGCAAGTTAAGGGATCATCTGCATGGATCCGAATATGT  
GCTTACATATGAAGATAGAGATGGTGAATGCTTGTGGGGAAATCCCCTGGGAGATGTTCAATTGATTCC  
TGCAAGAGGCTGAAAATCGTAAAGGGCTCTGACGCAATTGGTTTAGCCCCAAGAGCAACGGAGATCCAAAAA  
TAGGATTTAGCTATTGCTGAAGTGACGACTCCTCTACCAAATTCAGAATGGTGGTGTGAAGGAGAGAAAAC  
GTATAAGTGAAAAGAAGTTAGAAAATGACTGCTGCGCAGGATGGCATTGTGGTTCAGATGCGTACCTTGTCC  
TTTTCCATGTTTTGACTCCCCGAAAAGTGCTCTTTCAATTTATTTTGTCTTTTGCCTTTGCTTTGTAAACCAT  
AATTTAGTCATTTATCATAATTGTTGTTTCTGGATCTATAACCTTCTATGAATCTTATCGTTTCAGATAATTTGTAT  
TCATCGAATGCACCTGATTAGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_176 EU373019|Gossypium hirsutum gland development related protein 27-like mRNA,  
complete sequence

GAAGTTTTTACCCGTCGTCGTAAGCGAACTCCAAGAACAAAAATACTACCATTGATGATGTTTTGGATGGACT  
GGTGAAATGGCTTTGTGCACAGCTGAAGAATCCTTCACATCCTAGTCGTGCTGTACAGACTTCTATCAATTGCC  
TTGCAACTCTGCTGAAGGAACCAAGGTCAGATCCTCCTCGTTTCAGACAGATGGAGTGAAATTGCTTATTCCT  
TTGATTTCTCCTGCATCGACCAACAATCTATTAGCTTCTATACGAACTTGTCTGTGTGTTTGGCTCTTGTCTAT  
ATTATGAGCCGGCAATTGAATTCTTGGCCACCTCTAGGACCTTCCAAGACTCATCGATGTTGTCAAGAGTTCT  
ACAAAAGAGAAGGTTGTCCGAGTTATTATTTGACCTTGAGGAACCTACTCCACAAGGGGACATTTGGAGCTC

AAATGGTGGGTCTTGGACTACCACAAATTGTTCAAAGTTTGAAATCACAAGCATGGAGTGATGAGGACCTTTT  
GGAGGCTTTGAATCAACTAGAAGAGGGGCTGAAAGATAACATCAAGAACTAAGTTCTTTGACAAGTATAA  
GCAAGAAGTCCTTCTTGGGCATCTTGACTGGTCTCCTATGCACAAAGATGTCAACTTCTGGCGAGAAAACATA  
ATGAGCTTTGAAGAGAACGATTTGAAGATATTGAGGGTTCTAATCACAATTCTGGATAGTTCCAGTGATCCAA  
GGGCTTTGGCAGTTGCTTGTGTTTGATCTTTCTCAGTTCATTCAACACCATCCAGCTGGGAGAGTTATAGTGACA  
GATCTCAAGGCCAAAGAAAGAGTGATGAACTGATGAATCATGAGAATGCTGAGGTTACCAAATATGCTCTC  
CTTTGCATTCAAAGGCTCTTTCTAGGTGCCAAGTATGCGAGCTTTCTACAGGCTTAACTCCGTCCTCTCTCCATT  
TGCGTGTAAGTTATAATAAAATCCATCTACTTGAACACACCCACCCCCAGTTGCTGGAGCTAAAAGGGGTTCTT  
ATTAATTCTATTTAAGTAATTATCTTCTTAAAAATTTTTGGTGTGATTCAACTAGAGATTTTATTCGTTTCTTTGCA  
TTCCAGATTGTTATTTGGGTATATTGAATAAAGTCACCAGGTTTTTCATACCTTGATTTTACCTTTTGTTGTGTA  
TTGATTTGAAGAAAACCTGAAGAGATCTCTTTGAGATAGTGAGTTGAAAGCTAAGTAGAAATTTCTTTGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAACTTTATCAAACCCGCCAACCCCAAGGGGGGGCCCCGGACCCCA  
ATTCCCCCAAAAGGGAGTCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCTTTTTACAACGCCGGGACGGGAAAAACCC  
GGGCGTTCCCAATTTAACCCCTTGACCAAACCCCTTTCCCAAGTGGGGGAAAAACCAAAAGGCCCCC  
CCCAATCCCCCTTCCCAACATTTGCCACCTGAAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGAACCGCCCCATTAACCC  
GGCGGGGGGGGGGGTTACCCGCACCGGGACCCCAACCTTTGCCAGCCCCCAAGCC

>trans\_c\_177 NM\_101815|Arabidopsis thaliana GAMMA CA1 (GAMMA CARBONIC ANHYDRASE 1);  
carbonate dehydratase (GAMMA CA1) mRNA, complete cds

TTTCCACCATTTTTGAAGCAGATACAAGAAGAAGCCCAAAAGCTTCCAGTGATCTTGGTAGCCTCTGTATAGCG  
CGAGATCAGAGAGCAGAAGGAAGAAGAAGACGATGGGAACTCTGGGCAGAGCTATTTACACCGTTGGATTT  
TGGATCCGCGAGACCGGTCAGGCAATCGATCGCTTGGCTGCCGCTCCAAGGAAGATATTTCTTCCAAGAAC  
AGCTGTCTAGGCATCGCACTCTGATGAATGTATTTGATAAGGCTCCTGTTGTTGACAAGGATGCATTTGTAGCT  
CCAAGTGCATCCATTATTGGGGACGTTCAAGTTGGACGAGGATCTTCTATTTGGTATGGGTGCGTTTTGAGAG  
GTGATGTGAACAGCATCAGTGTGGGATCTGGAACCAACATACAGGACAACTCCCTTGTCATGTGGCAAAT  
CTAATCTAAGTGAAAAGTTTTACCGACTATCATTGGAGACAATGTCACCATAGGTCATAGTGCTGTAATACAT  
GGCTGCACTGTTGAGGACGAGGCTTTTGTGGTATGGGTGCAACATTGCTTGATGGCGTTGTTGTTGAGAAG  
AATGCCATGGTAGCTGCCGGAGCTCTTGTGAGGCAGAATACTAAGATCCCCTCTGGAGAGGTATGGGGAGGA  
AATCCAGCGAAATTCCTCCGAAAGCTCACTGACGAAGAGATAGCTTTCATATCTCAGTCTGCCACCAATTACTT  
GAACCTTGACAGGTTACGCAGCTGAAAATGCAAAGTCCTTTGACGAAATTGAATTTGAGAAGGTGCTCCGC  
AAGAAGTTTGCTCGCAGGGACGAGGATTATGACTCAATGCTTGGTATTGTTGCTGAAACACCTCCAGAACTCA  
TCCTTCCCACAAATCTTACCCGATAAAGATCCCAAGCCTTTGCAGAAATAAAACAGCCCTTTTGTGAACTCT  
GAGTTGTTTAGCTGAAGAGTATTTTGGCATCACATGCAAAAATACATGAAATCAAAAAAGAGTTTGTGTACT  
TTCACAATAATATCAATCATCTTCTACTGCAGAATTATGGCTTCCATTTTGGCTGTTGGGACTATTCTTCTGGCA  
GCTTTTTAGAAATGGTTTTACTGCTCAGGATGGATGAACTGACTTCATAAAGTAGATTGTAAGTTTGTTCATC  
TGTATTGAAGAGATCCAATTTCTTCTCCAATCATTTTGGTGATGTGTTAAATTTGAAGCATTTGATGTTAA  
AAAAAACTTCAAAAAGTAATTCCTACAGTGGTGTGGAAGCTGCTGAGAATTACTCTCCACTCTATAAGTTCAAA  
TCCTTTGAATCTTTGGACATTTACATTATAATTGGGGACTATATTTAATGAGCTTGGAAATCTCTGATTGGATA  
GTTGAATGTATTAATGATTTAAGATCTAATGTATGATTAAAGATATTAAGTTAAATTTAACAAAAATTAATTGA  
ATCATGATGATGGGCTGACCAATATTTTGTGCTATTATTCATTGATTTGCGCAATCTACATATAAACATATTT  
TAATTTTATTTACCTACTAATTTTATATAAACTATTTAACCTAAAGTTTGATTAGTCTTTTTTTCTTTTTCTTTT  
TTTGAAAAATAAGCTTGAATATAATTTCAATTTTTTTAGTTTTAA

>trans\_c\_178 BT011805|Arabidopsis thaliana At5g01930 mRNA sequence

TGGTGGATTTCTCAGTGAAAAGTCAAACAATGGCTGCTCGTTACATATTACTCAATTTAAACTTGTTTTCTG  
ATTGTAGTTTTTATCTCTTGTGTTGAGTATACAATTCATCCTTTGTTGAGGGTAATGGAGATGATCAACCATT  
GATTTCTCAGTCGAGGATGCTACTGAGAATCATTTACGTA CTGAGACATGAGTCATGGGTTTGAGGGAGTGG  
ATCAAAATGACAACGACGCATGGAGTATGGTGGAGACAAAACAGAACCAATTTGTAGTAGACGGCCAACCAT  
TCTATGTTAATGGGTTCAACACTTATTGGTTAATGATATTTGCAGCGGACCAATCCACAAGAGGAAAGGTCAC  
AGAGGTGTTTAAACAAGCTGCTTCTGTGGGTTTAACTGTTTGTAGGACATGGGCCTTCAATGATGGCCAGTGG  
AGAGCTCTTCAGAAATCTCCATCTGTGTATGATGAAGAAGTCTTCAAGGGATTAGATTCGTGATTAGTGAAG  
CAAAGAAGTATAAGATAAGGTTGATATTATCATTAGCAAACAATTGGGAAGCATTGGTGAAAAAGCACAAT  
ATGTGAAATGGGGGAAAGCTGCTGGCCTCAATTTGACATCTGACGATGATTTCTTCACTGATCCAACCTCTAGA  
AGCTACTACAAAGCTCATGTTAAGACGGTGCTTAATAGAGTGAATACATACACAAATGTAACGTACAAGGAAG  
ATCCAACCATTTTTGCCTGGGAATTAATGAACGAACCCCGTTGTACATCAGATCCTTCAGGCAATACACTGCAG  
GGATGGATTCAAGAAATGGCTGTGTTCTGTAAGAGCATGGATCCAAAACATTTGCTGGAGGTTGGTCTGGAG  
GGATTTTATGGTCCATCCACGCCCAATAGAGTTCAGTTCAATCCAAATACATATGCTCAACAAGTTGGAAGTGA  
TTTCATCAGAAACCATAAAGTTCTTGGTGTGATTTTGCTTCAGTTCACATTTATGCAGACACATGGGTTTCTCA  
AGCAATCTCTGATGCCCATCTCCAATTCACAAAATCATGGATTGAGGCTCACATAGAGGATGCAGAGAAGTAC  
CTTGGAATGCCAGTCATTTTCGCTGAGTTCGGGGTATCATCGAAGGATCCCGTTACAATTCGACTTACAGGG  
ATAAATATCTTAGCTCGGTATACAAGATGCTGCTGGATTGACAAAAGAAAGGAGGGAGTGGAGGAGGAAGC  
CTGGTGTGGCAACTATCCCTGAAGGAAGTACTACATGGATGATGGCTATGCAATTGTGCTCTCAAATCTCC  
TTCAACTTCAACATTATATCTCTTCACTTACAAGAATGTCAATCTTCAACTCCATTTGTTCCATGAAATGTCGT  
TGGGGTTGTAAAAAGAAAAATGTTATGGATTTTATTTTCCCAACCAATATGATCATGATGAGATGTAATCTAA  
CATAACAATACTTGTGCTCGAGAATATAGGTATCCTATCCTTATGGATTATTCAAAAGGGTACATTTGAATTT  
CTTGATCATAAATAAAACTTTCTTGATTGTATGATCTTGCTTTTAAGCATAATTCTCACTTGGGAATGTCCTA  
AAAATGGATCAAAAATCAGAATTAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_179 AY323822|Lycopersicon esculentum DEM2 (Dem2) mRNA, complete cds

AGAGCGTTGGTTTCCACGGAAATGCAATTGAAAATGTTTGGCGATCAGCGGCGCGTCGATTTTGTTAATAAAG  
GTGTCTGGGCTTTGAAGTTCCTCGAGCGGTGAACAGTATCGGAACCTCGTGACCGAATTCCAAGATTGCTTGTT  
TGAGAATGTTTATGGGCTTCAAGCGACTGATGAAAACAAGGTCTAGATTTACGGGAAGGAGTTCATTGGGTG  
GTTGAAGCCGGAGGTGGCTGACGATTCGATTTGGGAAAACGCGGATATTGAGTTTGAAAAAGCCCCAGCTC  
GTCAGTGAGGACGAAACAAGACTTGATAGAGGAGTTCGAGGAGGCTGCTAATGGAGGAGTGCAGAGCTTGA  
CATTAGGGGCGTTGGATAACAGCTTCTTGGTGAACGACTCTGGGGTTTCAAGTTTACAGGAATCTAAGCCATGG  
AATTCATGGGAAGGGGTCTCACTGAAATTTGGTGCAGGACATTCTCAAACGTTTGGCGATCAACGCCAAA  
GAAGGGCCTTCTCATGAAGGCTGAGACAAATATGCTTCTCATGAGTCCATTGAAGGAGGGAAAGCCCCACAC  
GACAGGTCTAGAGCAGCTTGATATCGAGACAGGGAAAAATAGTAACAGAATGGAAGTTTGAAAAGGATGGTA  
CAGACATTACAATGAGGGACATCACAACGACACCAAAGGGTCGCAATTAGATCCTTCAGAGTCTACATTTTT  
GGGTTGGATGACAACAGGCTTTGTCAATGGGACATGAGAGACCGTAGAGGAATGGTTCAGAACATTAGTG  
GGTCTGCTGATAATTGACGGTTCTAACTGGGCGCAGGGGCATCAGTTTTCAAGAGGGACGAACCTCCAAT  
GCTTCGCTACAACAGGGGATGGTTCTATTGTTGTTGGATCGGTTGATGGGAAGATAAGGCTGTATTGAAGA  
CGTCGATGAGACAGGCAAAGACAGCCTTCCGGGGCTTGGTTGCGCCGATTACTCATGTGGATGTTACTTATGA  
TGGGAAGTGGATTTTGGGGACGACAGATAGTTATTTAATACTCATCTGTACTTTATCACTGATAAAGATGGC  
AACACGAAGACTGGGTTCACTGGTTCGATGGGGAACAGAATTCAGCTCCGAGGTTGCTGAAGTTGACTCCT  
CTGGATTCCCACTTGGCTGGAACAGACAATACATTCCACGGTGGCCATTTCTTTGGGTAACCGAGAGCGGTA  
AACAAGAACGTCACCTCGTTGCAACAGTGGGAAAATTCAGTGTGATATGGGACTTCCATCGCGTAAAGAACA  
GTTACATGACTGCTACCGGAATCAGCAAGGACTCAAGAGCTGTTACTGCTACAAGATTGTGCTGAAGGATGA  
GTCCATTGTTGAGAGCCGATTCATGCACGACAAGTTTGCTGTCTCCGATTCTCCAGAAGCTCCACTGGTTGTGG

CTACCCCATGAAAGTCAGCTCCATCAGCCTCTCTGGAAAGAGATGAGAAGCTATCGCTGTCGTCGATGGTGT  
GCCTTCTCATATATGTCGGTTGATGTGTGTTCTGCTAGCTGTACTGGTGCTGCTTCTTTGTTTATCCACTTCATAT  
GTATTTATGATCTCTTTTCATTTCCACTTTTCTCTGTTTCTGGTCATATTTTGTTGTATGTGGCTTTT

>trans\_c\_180 NM\_202476|Arabidopsis thaliana Expressed protein (AT3G01435) mRNA, complete cds

AGACACTTCTAGGTAGTTTTTAAGTTGGTTTGAGGGTGAAATTGTTGTTGAAGTAATTTTGAGACTTGAAATGC  
TACTTTCACACATTTTAAAAACCTTTTAGGTTGGCATTGAGTTTGAAAGTCAAACCTTAGGAATTTTAGGTTGGT  
TTTGGTTTTACCTTGAAAGTCTCATTTAGGCATTTTAAAGATACGTTGATAGTTAAAGTAACACTTAGACACTT  
ATTGGGTACTTTTTAGATTGATTTGAAAGTAAAATTGATATTTGAAGTAATATTTGAGATTTGGAGTGCTACT  
TTCACAAAAGCCCATGGGATGTCTCGAATCCGAAGCAGCCACCAAGCAAATCCCTAACCCAAGTTGGAGTGCC  
CGAATCCAACCTAGCCTGCCCCGATTTCCTTCCGTTCTTTTCTCTATGTAGATCATCCTACCGTTTCCCAGATTT  
CCGACCACAAACACCTTCCTATCTATTTTGAACCTTCCCATCTCGTAGCTTTCCTTACAGTTTTTGAGAGAAAAG  
TTAGAGAGAGAATAGGGAATCTACTTTTTGAGGATCTATATTGTTTCATCGTTAATGCCTTCACAATCTATTGG  
ATGTGGCAGAAACCTTAAACCTGGTTTTTTGGTGAAGAGATCCTTGTAATAACGGATGAATTCAGCTTTAATTG  
AGATGTTGACGTTTACTACTTATTAGGACACAGCCAGCATAGCTCTTGATGGATCCGCCGGCCAGAATACTTC  
ATTGCAGCGCCTCCAAAATGTTGAGAAGAGAATTGTGAGGGTTTTGGAGCTAGCAGGAGGAGTCATGGAAG  
AGCTTGCCAACCCAGCTGGTCCAAGAAAGAAATTTGTCAACAATCATTGCAGTGAGTTCATGCAATTTATCAA  
GGATATCCAAGTTACATTGCGGGATGAAATCAAAAGTGATGTGAATATCGTCCATTTGAGAAGTGTGATTAT  
AGTTCAAGGATTACTAACGAACCTTGCTGCAAGAACTGGAATATATGATTTTGAAGTTGGATGGAATGAAAC  
AAACTATTGATGATTATCAAGTGAAAATGGAAGAATCTTGAGTCACATGTCCTAGTGAGCTTCTAATCTATCTC  
TGCCACTTTCCCATTTGTAGAAACGAAAGGTTGAACGAGAACTTCAGTCATGTATGTATATAATCTATCTCTA  
GTTGAGCTGATAGCATCCACTTTTGAATGTTGATTACATAAAAGATTCTACTATACAGTATATCTGTTTTATTAT  
CCTATCATCTGTGTTTTTTAGTATCAATTCGAGAAGGTGACAAATCCAAATCCAGGTAGATCTTCTATCTCAAG  
GGATGTAACTATTCCTTGTTTTTTCTTTAATCTATGGCCTTTTCTGTACTTTGGCATGGACCATATCACATTGGC  
TGTATACATTTTCTCCTTTTGTTTTGTGCATAGAGACTGTCACCTTCTCAATAGTAAACGGTTGTTTTCTGGTT  
TATTTGGAAGTATTGGGCTGTTTGGTGAACCGTGATGGAATGAGTTTGAATGTAATATACTCGAAAACCTCTAT  
GTTTGGATTAGGTGTATTGGGCTTGATTGTAATACTAACTTATTCCATTCTGACAGTTTTCAATCCAAAAAGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_181 EU376000|Gossypium hirsutum beta-tubulin 16 mRNA, complete cds

AAAGAGATTTCTCTTCACTCTCTCTCCCTCTCTGTCCCTACAAACCTCATTTCAATTTCTCTCCATCCCCCAATTCC  
TTCTCCCAAATGAGAGAAATCCTTCATGTTCAAGGTGGCCAATGTGGTAACCAGATCGGTGCTAAGTTCTGG  
GAAGTTGTTTGTGCCGAGCATGGCATTGACACTACCGGAAAGTACCAGGGAGATTCGATCTTCAGCTTGAGA  
GGATCAATGTTTACTACAATGAAGCCAGTTGTGGTAGGTATGTACCTCGTGCCGTTCTTATGGATCTTGAGCCT  
GGTACTATGGATAGTATCTGATCTGATTGTGAGGGACAGATCTTTAGGCCCGATAACTTTGTTTTGGTCAATC  
TGGTGCTGGAACAACCTGGGCTAAAGGTCATTACACTGAAGGTGCTGAACTTATTGATTCCGTTCTCGATGTT  
GTACGCAAGGAGGCCGAGAATTGTGATTGCTTGTGGAAGTTTCAGGTGTGCCACTCTCTAGGAGGAGGAACT  
GGATCTGGAATGGGAACCTTTTTGATTTCCAAGATTAGAGAAGAATACCCGACAGGATGATGCTTACCTTCT  
CTGTCTTTCCATCTCCCAAAGTGTCTGATACTGTTGTTGAACCTTACAACGCTACTCTATCAGTTCATCAACTAG  
TTGAAAATGCAGATGAGTGATGGTTCTTGACAACGAAGCTCTTTATGATATCTGCTTCCGTAATCTCAAGCTC  
ACCACTCCAAGCTTTGGTGATTGAACCATTTGATCTCTGCAACAATGTCCGGTGTGACTTGCTGTGTGAGATT  
CCCGGGACAACCTCAACTCCGATCTCAGAAAGCTAGCCGTTAATCTCATTCCATTCCCTCGTCTCCACTTTTTTCAT  
GGTGGGTTTTGCTCCTCTCACATCTCGTGGTCCAGCAATACAGAGCTCTGACTGTTCCCGAGCTTACCCAAC

AAATGTGGGATGCCAAGAACATGATGTGTGCTGCTGACCCACGACACGGACGCTACTTAACCGCCTCTGCTAT  
GTTTAGAGGGAAGATGAGTACTAAGGAAGTAGATGAACAAATGCTCAATGTGCAAAACAAAACTCTTCTTA  
CTTCGTTGAGTGGATTCCAAACAATGTCAAGTCGACTGTTTGTGATATCCCTCCAAGTGGTTTGAAGATGGCAT  
CTACCTTCATTGGAAATTCACATCAATTCAGGAAATGTTCCGCCGTGTGAGCGAGCAATTCAGTCCATGTTT  
AGACGAAAAGCTTTCTTGCAATTGGTACACAGGAGAAGGAATGGACGAGATGGAGTTCAGTGAAGCTGAAAGT  
AACATGAATGATCTTGTCTGAGTACCAGCAGTACCAAGACGCCACAGCCGAAGATGAGTATTACGAAGAA  
GAAGATGATGACGTTGAAGATAATGTGTAAGAAGAAGATAGTATAATGATGGGGTTTTATGAATGATGTTTG  
TAGGGATGTAGCGTGTGCAACTCTTGCAACTATCTGTTGCCAGTCATGTGGATTGTCTATTTTTCTGTTGTCT  
TTTATTATGTGCTTGACTTTGAACTGATTTTGTCTTCGGACAGTTGAATTTTAACTACATAATATGAATTTG  
TTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_182 NM\_178968|Arabidopsis thaliana UBQ10 (POLYUBIQUITIN 10); protein binding  
(UBQ10) mRNA, complete cds

GCAATTGAATTTCTTCTCATCTCTGTCGTAGCAAACCAAATCGATTTCTTCAAAGATGCAAACTTCGTAAAG  
ACCTTACAGGCAAGACCATCACCTTGAGGTGGAGTCTTCGACACCATCGACAACGTCAAGGCCAAAAATCC  
AGGATAAGGAAGGGATTCCCCGGATCAGCAACGATTGATCTTCGCCGGCAAGCAACTTGAGGATGGCCGAA  
CTCTTGCCGACTACAACATTGAGAAAGAGTCAACTCTTACCTGTCTAAGGCTTCGTGGTGGCATGCAGATC  
TTTGTA AAAACACTTACCGGAAAGACGATCACCTTGAGGTGGAGTCTTCGACACTATTGACAACGTTAAAG  
CCAAGATTCAGGATAAGGAAGGAATCCCCCGGACCAGCAACGTCTCATCTTCGCTGGAAAGCAACTTGAGG  
ACGGCCGAACCTTGCCGATATGTTATATGCCGAAGGAATCTACTCTCCACCTCGTGCTCCGGCTCCGTGGTG  
GCATGCAAATTTTGTCAAGACTCTTACCGGAAAGACTATCACCTCGAGGTGGAGTCTCCGATACCATTGAT  
AACGTCAAGGCCAAGATCCAGGATAAGGAAGGTATTCCCCAGACCAGCAAAGACTTATCTTCGCCGAAAG  
CAGTTGGAGGATGGACGAACTCTTGCTGATTACAACATCCAGAAGGAATCTACTCTTCATCTTGCTCCGACT  
CCGTGGTGGTATGCAAATTTTGTCAAACTCTCACCGGGAAGACCATCACCTTGAGGTTGAGTCTTCTGAC  
ACAATTGACAACGTGAAGGCTAAGATTCAGGACAAGGAAGGCATTCCCCAGACCAGCAGAGACTTATCTTC  
GCTGGGAAACAGTTGGAAGATGGCCGAATCTTGCAAGATTACAACATCCAGAAGGAGTCGACCCTCCATCTT  
GTGTTGCGTCTCCGTGGTGGTATGCAGATATTCGTCAAGACTTTGACTGGGAAGACAATTACCCTCGAGGTGC  
AGAGCTCCGATACCATTGACAACGTTAAGGCAAAAATTCAAGATAAGGAAGGCATTCCCCAGACCAGCAGA  
GGTTAATCTTCGCCGAAAGCAGCTGGAGGATGGAAGGACTCTTGCTGACTACAACATTCAAAGGAGTCCA  
CCCTTACCTTGTCTCCGTCTGAGGGGAGGAATGCAGATCTTCGTTAAGACCTTGACTGGAAAGACCATCACT  
TTGGAGGTGGAGAGTTCTGATACAATCGACAACGTGAAAGCAAAAATTCAGGACAAGGAGGGAATCCACCA  
GACCAGCAGAGGTTGATCTTTGCCGGGAAACAGCTTGAAGATGGAAGGACCCTTGCTGATTATAACATTCAG  
AAGGAGTCGACCCTTACCTTGCTCTCGTCTCCGTGGTGGCTTCTAAATCGTTCTTCTGAAAGTCGGAAAATT  
TGGGTTGCGTGGTTGGCCATGTTTGCGCCCATGTGGATGAATTTGGGATCTTCTTTTGTCTCTTTTTCTC  
ACTTAGTATGTTTCTAAATGTTCTCTCAAGTTGGAAATTGGGGAGAACATTATTTCTATATGATGATATGT  
ATGATATTAGTGGTTTCTGATAAATAAATTGAAAGTTCTTCTCTGAAAAAA

>trans\_c\_183 NM\_116077|Arabidopsis thaliana tRNA synthetase class II (G, H, P and S) family  
protein (AT3G62120) mRNA, complete cds

CGATTGGTGTGATGGTTATGGTTCATGGGGATGACAAAGGATTGGTGCTGCCTCCTAAAGTTGCGTCGGTTCA  
AGTTATTATAGTCCCTGTACCTTACAAAGATGCAGACACTCAAGGAATTTTGTGCTTGTTCTGCCACTTTGG  
ATACATTGACAGACGCAGGTATTCGTGCAGAGGTAGACTCTAGGGATAATTATTCTCTGGATGGAAGTACTC  
TCACTGGGAAATGAAAGGCGTTCCACTCAGGATTGAAATAGGACCAAAGGACTTAACAAACAATCAGGTGCG  
TGCTGTTGCCGGGATAATTCGGCAAAAAAAGACATACCCAGGGATTGTTGGTAAAACAAGTGAAAGAAT



TGCTAGAAAGTATTCAACAAAGCCTGTTTGATGCGGCAAAAGTAAAACGAGATACATGCATTCAAGTTATTAA  
TACATGGGAGGAGTTTACTGAAGCCCTCAGTCAAAAAAATGATATTGGCTCCATGGTGTGATGAAGAGGA  
GGTTGAGAAGGATGTGAAAACAAGGACCAAGGGTGAGATGGGAGCAGCTAAAACCTTATGTTCTCCATTGCA  
CCAGCCCGCTCTTCCAAAAGGTACCAAATGCTTTGCATCTGGAAAACCTGCAAAAAAATGGAGCTATTGGGGC  
CGAAGCTACTAACTATCAGCTCATGTTTATATCCTATGTTGCCATTGGATACATCAAGAAGTCAGCTTTCGAG  
AGTTATTGAATAAAGGGGCATTAAATTCAGTTAATTCCGAGTTCATCAGTACTTCTAAGAGGACGCACTCTTAC  
ACGATGAAAAAAGCATTAGCAAGAGTTAACTATAGAACACTTTACTTTGTTTGCATGCTTGGATT  
ATTCTTTTGAATTTCTGGGTTTGTCTTCAAACTTTTTTTTCTTCTAAAGTATATTGGAGGTAAGGGCA  
TGTTCTGTTTAAGTGGATAGTTGGATTTTGTGGCTTGAATAATTCAAGCAAGGAAAGCATTGTTGTGAGCATCA  
ATTGAACCTACTTGACTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCC  
CCCAAAAACTAAACACCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCGGGGCCCCCCCCCCCCCAAGGGGGGGCCGA  
AAACCCCCCCCCCGGGGGCCGCCGTTTACCCCCGCGGGGGGGGAAAACCCCGGGGGCCCCCACTAACCC  
CCCGGGCACCCCCCCCCCTTCCCCGGGGGGGGAAAAACAAAAGGCCCCCCCCCGCCCCCCCCCAACG  
GGGGCCCCCGGAGGGGCGAGGGGGCCCCCGGAGCCGCCCAAGCGGGGGGGGGGGGGGGGGT  
ACCCGCGGGGGGGCCCCACCCGTGGCCGGCCCCAACCCCCCCCCCTTCTGTTCCCCCTCCCTTCCCCC  
CAGGTCCGCGGGCTCCCCGAGAGGCAAAAGGGGGGGGGCCCCCTTGAGGGCCCCAATTTGGGGCTTCCC  
GGCCCCCGCCCCAAAACTGGAGGGGGGGGAGGGTCCCCGGGGGGGGCCCCCCCC

>trans\_c\_184 NM\_001060814|Oryza sativa Japonica Group Os04g0679200 (Os04g0679200)  
mRNA, complete cds

AATTCGAGCCAAAAGACTCCACAGCGCCGCCAATCTTTGTCAAACCAAAAGGGGAAGAAAATTCTTTACA  
GCAAAATCTCTTGATCGTCTCTTCTTCTTGAATGGGAACCATTTGGCTGCAACCACAGATCCCTCTATTTTCTG  
TGGTGCACTTTGCTTCAAAAAATGATCATCGTTAGGGACGATCCCTTTTACTATCGTGGTCTATTTTCTGTG  
AATTGGAGAGAGAGAAGGCTTTAAGCCTTCGATGGAGTATTGATTTTTGTTCTACAGCAGAATTTTACAGAAT  
TACGGCCCCAAGTATGAGTTGCACCTGCTTCGGTTCCTTACTTTGGAGAAGAAACGAATCTCTATACGTGCTG  
ATAAGGAATTGGACATCGACTTGCCTGAGAATGTAAAACAAATCTCCTTCAATGAACTAAGATCTGCTTCGGA  
CGATTTCCATTGAGCAATAGAATTGGACGAGGAGGTTTTGGAAGTGTGTTACAAGGGCACATTAAGGAATGG  
CGTACAGGTTGCGATAAAGAACTCTCTATAGAGTCTAAGCAAGGCGCTCGCGAATTTTACTGAGATCAAA  
ACCATTTCAAATATTAGGCATCCTAACCTTGTTGAGTTGATTGGATGCTGTTCTCAAAAAGCTAACCGGATCTT  
GGTATATGAATATCTGAAAACAACAGTCTCGACCATGCTTTGTTAGATCCTAAAAAACAAGCGTCCACCTG  
GATTGGGGGAAGAGGTCCTCTATTTGCATTGGTACTGCTAGGGGTCTTCAATTTCTTACGAGGAAGCCGTTT  
CACATATTGTGCATAGAGACATCAAGGCTAGTAATATACTCCTTGATAAAGACTTCAACCCGAAAATTGGTGA  
CTTTGGATTAGCCAACTTTTCCAGATGATATTACTCACATTAGCACAGAATTGCAGGAACAACCTGTTATT  
TGGCTCCAGAGTATGCATTGGGAGGTCAACTAACTCTGAAGGCTGATGTGTATAGCTTTGGAGTCTCATCCT  
TGAAATTGTTAGTGGTAAACGTAGCAGTACAGTTTTTGGGGTAGAAATATCAGTACTCTTGCTGGGAAGGGTG  
TGGGAGTTATACGAAGAAGGAAAACCTTGGATATAGTGGATCCAGACTAGGAGATTACCCTCAGGAAGAA  
GTGCTTAGGTACATGAAAGTGGCTCTTTTTTGCACACAAGCAGCTGCAAATCGACGGCCAGCAATGAGCCAAG  
TCATTGACATGCTCACAAAGAATATCAAGCTGAATGAGAAGCTACTTACTGCCCCGGGGTTCTACGGAGGCTT  
GGGGACTAGTGACATTCCTTCACTGAGCAAGAAGACCTCGAACGCTTCCACTAGCAACGAGATGAGCTTTGC  
AGGCATCTCCATAACTAAAATCACTCCCAGATGAAGAAGATTGAAGTTCAAGACTTAGGCAGATTATAAAGG  
TTGAGTTCATGAGTATTAGTTAGTTTGATTGGTTGGAGCATCTCATTGTTAAATTTGGGTAAATAGTAGAGCT  
TTATTTTGTGGGGGTATCGAGTTGCATACACAAGTTGCAACCTCATGATCTTTTATCAACTGGTATGATGTTA  
ATACAATTCATATTTTACCATTGAAATGAATGTTCCCATG

>trans\_c\_185 NM\_117073|Arabidopsis thaliana hydrolase, alpha/beta fold family protein  
(AT4G10050) mRNA, complete cds

TTTTGGTTTGTAATCTGAAATCCGTTCCATCGTACCTATCGTTTCGTTTTGTAAACCGAACAAATCAATTGATCT  
TGAAGCAATCGACCAATCGCTCAATGGAATTATCATCTTCTAATCTCGGCTCCCTTCCCGAAGATGTTTCTGAA  
GATCAAGGACTACCACAAAGGAATCTTATATCGGTCTTCGTTCCAAGCCTCAGCGCTCTAAGAATATATATTT  
TTCACAGAAATACTTGCCCCAAGATTGGCTTGGGTATTTGACCGAGAGGATGATATTTCCATTCCAAACTCAA  
ATGAGGTCTTTCATGTCTACATGGCTGGAAAGGAAGGGCCAGTTGTATTTGTCTGCATGGAGGAGGCTATTC  
TGGGCTTTCTTTTGTCTCTATCAGCTGGTATTATAAAGAAAAAGGCTAGAGTAGTTGCAATGGACTTCAGAGGA  
CATGGTAAATCATCTTCTGAGAATGATCTTGACTTATCAATTGAGACTATGTGCAATGATGTTGTCGAGTTAT  
AAAGACCATGTATGGAGATTCACCTCCTGCAATCGTGCTTGTTGGTCACAGTATGGGAGGTTTCGGTTGCTGTA  
CATGTTGCTGCCAAGAGAGCATTACCTAGCCTAGCTGGTTTAGTGTTGTGGACGTTGTGGAGGGAAGTCC  
ATGGCTTCATTGATTCATATGCAAAAAATTTATCCAACAGGACGAAACATTTTCTAGTGTTGAGAAAGCGAT  
TGAATGGAGCGTAAAAAGAGGTTTCGATGAGGAATATCGAATCTGCCCGTGTATCAATTCCTCTACACTCACA  
TACGATGATTCAAAGAAATGCTATACTTACCGAGCAAACTGGAGAAAACGGAACAGTATTGGAAGAGCTGG  
TATGAGGGGCTTTCTGAAAAGTTTCTTTCATGTTCTGTTCCAAAGCTTTTCTTCTAGCGGGAGCTGACAGATT  
GGACAAAACACTAACAATTGGTCAAATGCAAGGGAAGTTTCAGATGGTGGTAGTCAGGAACACTGGCCATGC  
TATTCAGGAAGATACACCAGAAGAGTTCTCAAGTCTGATACTAAATTTTCTTCTCGCAATCGGATAGGTCCAA  
ATGGCGTTGAGATACCGGAATTTGCAAACTGCAACATTAGCAACCTTCAAATGAGAACAGGAGAAAAAGAT  
CATTTGCAGTTTCTCCTCCAGCATAGAACTGAACTAGATGATGAGTAAACCATGTTCTAAACACGGTAGTTGC  
TTCGGAGTAAAGCTAGTTGTTAGCATACTTTTCTTAAAGTGTCATCCACCCGACTCGCAAGAATTGAAGTCAAA  
TAAAGCAGTGTGAAATTGCTTTTCTCAGCTTGTTGTGATGAAGGACTGTAAATAAGACCCTATCAAAGTATGCA  
TTACAACCTTATTAATAATTGATGAAGCTACTACTTTTAGATAACTACGAACCATAATATAGAAGAAGGCATATT  
ATAAATGGAGTACTACAAGCTTTTCTGTTGTGGCATAACTCAACCGCAATTGCTGATTAGAAAAGCTACTACTT  
AGCTTTTACAAATTTACGTAGTATAGACCATCCATGTCTCACTTAGTTTTACTGATATCAACTATGTTTTTTTAGT  
ACAACAATTTAGATGTTGGGAAAGTAAACCTTTT

>trans\_c\_186 DQ224373|Glycine max triosephosphate isomerase mRNA, complete cds

ATTTTTGAAATTATTATCCTCAAGTTCGAGACTTTTAACTTTGTCGTCGTCGTGCTCATTGCTCCCAGAAATCCG  
AGGAAAAATGGGCAGAAAATTCTTCGTCGGCGGCAACTGGAAATGTAACGGAACAACCGAGGAGGTGAAGA  
AAATCATCACCGTGTTGAATGATGCTCATGTTCTTCAGGAGATGTTGTAGATGTTGTTGTGAGCCACCTTTC  
GTGTTTCTTCCCCTGGTCCAGAGTTTGTTGCGATCTGATTTTCATGTTGCAGCTCAGAACTGTTGGGTTCGTAA  
GGGTGGTGCTTTTACTGGAGAAGTTAGTGCTGAGATGCTTGCCAATTTGGGAGTTCCATGGGTGATTATTGGC  
CATTCTGAAAGAAGACTTATTTTGAACGAGTCGAGTGCGTTTATTGGAGATAAAGTTGCATATGCCCTTTCTCA  
AGGACTTAAAGTTATTGCTTGTTGGAGAGACTCTTGAGCAAAGGGAATCAGGATCAACAATTGATGTTGTT  
TCTGCACAACTAAAGCAATTGCTGATAAAATCTCCAGCTGGGACAATGTTGTTTTGGCTTACGAGCCAGTTTG  
GGCAATTGGAACAGGGAAAGTTGCAACTCCTGCTCAGGCTCAGGAAGTTCATGCTGAATTAAGGAAATGGCT  
TCACAACAATGTTAGTGCTGAAGTTGCTGAATCTGTTAGAATTATATATGGAGGTTCTGTAAATGGTTCAAAC  
GCAAAGAGTTGGCCGGACAACCTGATTTGGACGGATTTTGGTGGTGAGCTTCGCTAAAGCCGGAGTTTCG  
TGGATATTATCAACTCTGCATTGTGAAGAAACCGCTCAGACATCTTGACAAGGGCGAGACATAAATAACGGTT  
CCTCTGTTTTAGTTAACTGATTTGAGGTACCCACTAGTTATGTAAGAGAAGCATTGTTTGCTTGAGAAATTTG  
AAATTCCTGTTTGGAAATTGATTTCTGTTTCATGCTCTTGAAATAAGGAAATTTTGTGTTGGATACTCAGAACAC  
ATGAATGATAATCCACAATTTGAGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTATAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGC

CCCGGCCCCCATTCCCCCAAAGGGGGTAAAATAACCCGCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTTAAACCCCCGGGAG  
GGAAAAACCCCGGGGTTCCCCAATTAATCCCCTTTGAAACAACCCCCCTTTCCCAGGGGGGAAAAA  
AAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTCCCAAAAATTTCCCCCCCCAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCCCC  
CAATAAACCCCGGGGGGGGGGGGGTTACCCCCAAGGGGACCCCCTACCTTTGCCGCCCCCAAGCCCCCCCC  
CTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTCCCCCTTTTGCCCGTTTTTCCCGTAAAGTTTAAAACGGGGGCCCCCTTT  
GGGGTCCAAATTTTGGGTTTTTCGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAT

>trans\_c\_187 XM\_002890248|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal  
domain-containing protein, mRNA

GTTCAATGGAAAGCTTTCTTTTGATGATATTACAGATTGGTTTGCAACAACCGTACTGTATCTACCTCGAATCCT  
TTACTACTCAAAGGACATGTTGGGACCTAAATTTTTGGCAAAGAGTAGTCCCCATAAGGTCAAAGTTATTATTT  
TTTCAGCAACTGGAGAACGTGCTGCACCATTCATTCGCCAAACTGCAAAGAACAACCTGGGATTCAGTTTCATTT  
GCCTTTGTGCTATGGCGAGAAGAGGACTCATCCATCTGGTTGGACGCGTTTGGGGTGGAACTTGCACCTGCTA  
TGGTATTCTTGAAAGATCCAGGAATGAAGCCTATTGTGTACCATGGTTCTGTCAATAGGTCCTCGTTTGTACAG  
CTCATTGAACAGAATAAGCAACAAGAGCTTCCTCAATTAAGAAGTCGGACATCAATGGAGCTGGGATGTGAT  
GCTCGTGGTTATTCTCGTGCTGGATCTGACACATTAACATGGTACTGTGCAATTGTAGCTGGAAGGCTTGGTG  
CAGAACTCAACAAAATGCGTGAAACAATGCGCAGGGTTAAAGAACTTTAACTAGTTATGAAGCTTATGGAG  
CCGATGAAGACCCAAGGATATTTCCAGCTGTAGCCGCACCTTCAAAGCAAACGTTTGTCTTCACTTGGCTTGAC  
GGTGAAGCCCAGAAGAAATATTGTTTCTTTTACATTAGCTCTGAATCTAGCTATGAACTTGTGGACCAATGAG  
AGATCTCAGTGACGTGCCTCGATTATTTATTGTGCGGTACAAAAGGGATGCTACTAAAGCTAAGGAGATGAA  
GCCAAGAAGTATGTTTGATACATCATCTGATGATCCGGATCTTGCCGCACAGCTTGTGGCTCTTTACAATGGTT  
CATCTGAACTTCAGAGATTGCTCAATGGGTCTCAAAAATAATCGAGGATGGTGATTCAAGGGATCTGCCCTT  
TTATAGAGTGAAAGCTCCTGAACCTTGTTTCATGAAGATCCGGAGCTTATGAGTTTTGGAAGTGGTGGGAGTAGT  
TTTATTACCAATGTGTTGAAGAGGATTGAGCACATCAAAGTTGGAATCTATGACCGTCTAGACGACCCAAGGA  
TTGGTCCAGTCTTGTTTCTTGCATCATTATTGTCTTTCGGGACAATATGGCTACGGAAGTCTCAACCCACTCCCC  
CATCTCGACCAGCTAGGCAACCGGACCCCCCAAGTGAATCTACTCAACCAAGTCAACCACTACTAAGGAAGG  
AAGCAAACCCAGAAGAAGAAACCGGTGAGAACCGCATCAAACGCTGACGTACCTCCTTCCATAACCGACTTT  
GAGCCTCCAAATGCTTATCAGATGCATCTTTCGGGTTCTGATTCTGAATAGTTGGAGCTGGAAGGGTATATTC  
AGTTCCTCATAGATATAAACTATAGACTGATAAATCATTATTCATCCACAGCTCTATAGCATTATTTATTGCAA  
CTTTCGGTGTTTATTAAGATGATTTGGCTGTTGACTATTACTGCGACGAAATGGGGGACTCAATCCCTCTGCT  
TAAGCAGGTTGGAGGAGGAGCTCTCCCACCATCACCATGTACTTCATTGATTCACAGGTAGAACTCAAAT  
TAGTGAGCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_188 BT023463|Arabidopsis thaliana At1g02260 gene, complete cds

AAATTTTGTATCGTTTCAAGCTAAATAGCAGATTGGCTTGGATGAGTAGGTGATTCAAGATACTGAGGTACT  
GTGGTGCGGTAAAGACATTTGAAATAAAATCCAGTCAATCAGGTTCAAAGCTGACTCAAGTTGAATCTGATTG  
CAAACATGGCCATGGATCATACTGTAAAGTCATTCTAGGCTCGATTGCCTTCGCAGTCTTCTGGTTATTAGCT  
GTTTTCCCTGCTATCCCATTCTACCAATTGGGAGAACAGCAGGTTCTATACTAGGGGCAATGCTCATGGTCAT  
ATTCGAGTGCTAACTCCAGAACAAGCATATGCAGCCATCGATCTCCAATACTTGGTCTTCTGTTTGGAAACA  
TGGTAGTTAGTGTTATCCTGAAAGAGCTGATATGTTCAAGTATTTGGGGAAGGTGCTGTCGTGGAAGAGTA  
GAGGAGCAAAGGATTTAATTTGTCGAGTGTGTCTGATATCTGCAATTTCAAGTGCAATTTTCACTAATGACACC  
TCGTGTGTGGTTTTGACTGAATTTGTTTTAAAAATTGCCAGGCAACATAATCTTCCTCCCCGTCCCTTCCTTCTT  
GCACTTGCATCAAGTGCAAATATTGGTTCTTCAGCAACACCAATTGGCAACCCCCAAAACCTTGGTCATAGCTGT  
CCAGAGTAAATTCCTTTTGGGCAATTTGTGATTGGAATACTCCAGCTATGCTTGTTGGTGTGTTGTAAATG

CTTTAATTATTCTTATCCTATATTGGAACTGTTATCTGTCCAGAAGGATGAAGAAGATCCATCACCAGAAGTT  
ATTGCCGATGAAGATGTTCTTTCTCACAGATTTTCACCAGCCAGATTATCACACTCACAAATCCATCCCTTAAT  
TCTGCAGAATGGGATTCTCGATTGGATTCAATGAACGCACAAAAGTCTCCATGCTCAAATGCAAATGTGGAAA  
CTATAAGAAATTCAGTAAGTTCAAAAGATAATGAAATCCACAGGTCTCATAGTACTCTGACGGAGCCGGCAAAG  
AATATCCGATGCTTCAAAAAGAGTGGCTGCCCAATGCTTCTCCTCAGAAAAGGGAAGAAGGTTTCTTCTAAG  
AGCCTCAACTCAATGGATAAACAGAAAGAACCTGTAATTTTGCAGTCCTCAGAAGGGAAGGAACATTGGAGC  
ACAAAATGGCGAAGGATTGCATGGAAATCCTGTGTTTATCTTGTGACTGTAGGAATGCTTATTGCTCTATTGTT  
GGGCTTGGATATGTCATGGACTGCCGTGACTGCTGCACTCGCTCTTGTGGTTCTTGATTCAAGGATGCTCAGC  
CATGCCTAGAAAAGGTTTCATATTCACTTTTAGTTTTCTTTGTGGGATGTTTATGACGGTTGATGGATTAAACA  
AAACTGGATTGCCAAGTGCTTTTTGGAATTCATGGAGCCGCATGCACAGATTGATCGTGTCTTGGGACTGT  
AGTTCTTGCTCTTGTCACTGTACCTCTCAAACCTAGCTTCAAACGTGCCTACTGTTCTTCTGCTTGGAGCAGC  
AGTCGCTGCATCGGCTGCTGCAATTTCTCCAGCTGAAGAAAAACGGGCATGGCTTCTTTAGCTTGGATCAGT  
ACTGGTGCTGGAAATCTTTCATTAATAGGGT

>trans\_c\_189 BT026034|Arabidopsis thaliana At1g22070 mRNA, complete cds

AGGTTTGTAACCTCAAATCGTTTCATCAAGAAACAAAAACACCTGTATTTATCTTCTTCTTCTTATATGGCTCT  
GGCCAAGGAATCAAGACAGTTTTGAGTTGTTCTTTTCTGAATTGAATTTGTCCCTTTCTTCTTCTTCTGCTGTGCTC  
TCAACTTTCTTGTGTTAGTTATTGCTTGGAAATACAAGTTTGGCCCTGTTTTGCTTGTACCCAATCCATCTTACTC  
TTATGATTGGTCAGCAGAGTATGAGCTCTTCATCAACTCAACTCTATGCTTCAAGGATGGGCATCTATGAGCCA  
TTTCATCAGATCAACTCATGGCCAATAATGCATTTGGTAGTCGACTAGATACGAGCATATCACCTATTAATAA  
AGTGGACGACTGTGTAGACAATAAACCCGAGTTTGTTCTTTTGAATCGATGGATCATCTCGAGAGCAGTGAA  
GAAATGAACAAGCCAATCGATGATAAGGTACAAAGACGTTTAGCACAAAATCGGGAAGCAGCTCGTAAAAGC  
CGTATGAGGAAAAAGGTTTATGTGCAGCAGTTAGAACTAGCCGTATGAAGCTGGCACAGTTGGAGGAGGA  
GCTAGAAAGAACTAGGCAACAGAAGGGTACCGGCTGCTTAGTAGACACCAGTCACTTTGGATTGAGCGGATT  
GGTAAACCCAGGGATTGCCGCATTTGAGATGGAATACAATCACTGGGTTGAAGAGCAACAGAGACAGATCAA  
CGAACTTAGAAAGGCGCTGCAAGTTCATACAAGTATAGAACTCCAAATTTTAGTGGAGAGCAGCTTAAAC  
CATTACCACAATCTATTCTGCATGAAAGCCAAAGTTGCAAAGGCTGATGTTTTCTATTTAATGTCTGGTGTTTG  
GAGATCATCGGCAGAGCGTTTTTCTCTGGATAGGTGGATTTCGCCCATCAGAACTGCTAAATGTTCTCAAGC  
CATACTTCGAGCCACTAAATGAACAACAAAGAGCAGATATCCACAAGTTGCAACAGTCATCTCGGCAAGCCGA  
AGATGCGCTCACTCAAGGAATGGAAAACTGCACCAGAATCTATCCCTCAGCATTGCTGGTGACCCTGTAGGA  
AGCTATATTTCTCAGATGGGTGATGGAATGGAGAACTAGAAGCATTGGAGAACTCATAAGCCAGCCGAGT  
GTGTGTTACTCTTTTCTGAACAGGCAGACCATCTCAGGCAACAACTTTGAAGAGAATGTCTCACCTCCTAAC  
CACGAGACAGGCAGCACAAAGCTTGCTCGCTTTGGGCGAGTACTTCCACCGTCTCCGTGTTCTTAGTTCGCTCT  
GGGCCACTCGACCTCGTGAACCTGCCTAGCCATGAAAAGCTCAGGCATGTTCTATTACCATAATATTCAATAC  
CACAAGGCATAGGACCTACAAGGAATGTATACTTTTGCCTCTTATGTAAAAAAGGGATGCAAATCCTGATATA  
TAAGTTCCACTGCTAGCCACGTTTTAGTAAGCAAAGTTCTTATGGTTTTCAAATGTAAATATCAATAGTTCTTA  
TAATGGTGAGATGTAAGAACTTAATTGAATAATTTATATAGTAAATTATTTTTGTNAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_190 AB058678|Pyrus communis Py-PIP2-1 mRNA for plasma membrane intrinsic protein  
2-1, complete cds

CTCAAGAATGGCCAATTCAAACGAATAAATCTGCGAGAATTGAAGCCTTGAACAATGAATCAAACAGAAAAAT  
CCCCATTTGAGCATCAGAAAATCATCAACATCTCCGTTCTGTGAACTTTCTCTGTTAGCAATGATATCTTCAA  
TCACCATCGTTATATCTTTGTAAGACGATCCTCCTTCTCCATAGCTCTCTTGCCATTTCTGCAAGTTTCTTGCTT

CTCTCTCATCTCTTCTCTCTTCTCTTTCCAACACCATTTCTATGGCTTCTTTCACCTTCTCTCTTCACT  
ACCACTTTCCCACTCCCAATATTTCTCATCCCCAAATTCTCCACACCCAACAACCTCCAAATCCACAACAATGGGG  
AAAGACGTTGAAGTTGCTGAGCAAGGTGAATCCAAAGCAAAGACTACCAAGACCCACCTCCCGCCCCCTCTCA  
TCGATCCCGAAGAGCTCACTAAATGGTCTCTTTACAGAGCCGCCATCGCCGAGTTCATCGCCACTCTCCTCTTC  
CTTTACGTCACCGTTTTGACCGTTATCGGTTACTCCACCAGAGGGACTCTACCCCCGACCCCTGTAGCGGTGT  
TGGCATTCTCGGTATCGCTTGGGCCTTCGGTGGTATGATCTTTATCCTTGTTTACTGCACCGCCGGTATCTCCG  
GTGGCCACATTAACCCCTGCTGTCACTTTCGGCCTTTTCTTGGCTCGTAAAGTCTCTCTGGTTCGTGCTGTATTGT  
ACATGCTTGCTCAATGTGCCGGTGTATTTGCGGCTGTGGCTTGGTTAAAGCCTTCCAATCTGCTTATTATGTT  
AGATATAACGGTGGTGCTAACATGCTTAGTGATGGTTACAACAAAGGAACCTGGGTTGGGTGCTGAAATTATT  
GGGACTTTTGTCTAGTTTACACTGTTTTCTCTGCTACTGATCCCAAGAGAAACGCCAGAGATTCTCACGTTCT  
GTTTTGGCTCCTCTCCAATTGGGTTTGTGTGTTTATGGTTCACCTGGCTACAATCCCCATTACCGGAACTGGA  
ATTAACCTGCTAGAAGTTTCGGAGCTGCTGTCATTTTCAACAAAGAGAAAGCCTGGGATGATCAATGGATCT  
TCTGGGTTGGGCCATTCAATTGGAGCTGCAATTGCTGCAATTTACCATCAGTATGTGCTCAGAGCTGGCGCCATT  
AAAGCTCTTGGATCTTTCAGGAGCAACGCTTGAAAATCCTTCAATGGAAATATATTTAATTGGTTTCTCTCAGA  
TTGTGTTTTGTTTTTGTGTTTTTGTGTTTTGGGGTCTCCTTTTTCTCTCTTCTCAATAGACTTTCGATGGTTGAA  
TCGGAACCTCAATTCTTGCGGCTGCTCTGCTCTCGTCTGCTTTGGTCCGTCGTGGAATTAAGTTCTACAAGAAGT  
TTTAATTGTTGGCCCTGGAAATTGTACATATTTCCATTTCTCTCCCTAAAAGAAGAAAAAAGAGAAAAAAGAG  
AAAGAAAAAGAAATTGGGGCTCATTCTCATCCTATGTATTATGATTTTTTCTTTTTGTGTTTCATCCTTATCCTT  
TGTTTTTATTTAATAAAAGAATCTCCTCTATTATGATGTCCAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_191 AY058848|Arabidopsis thaliana AT5g14040/MUA22\_4 mRNA, complete cds

CTCCGTTACCATTACAGAGAAAATCAAAGAAATTTGGCGTTGAGAGATTGGGAGAGAGGTTTCTTTCTAGG  
GTTGCTTCTTCTTCTTCATCTCCATTGTTGCAATTTCACTTCTTCTCCTCTTGTTCTCATCTCCCATGGCGCTC  
TCTGATAAACCTCTCGCCAATCTCTGATCCCCAGCTTCCTTTACTCTTCCCTTCTTCCACTCGAACTCTTCTCT  
CATGAAGATGCTTCAGTCTTCACCCACTCTCGATTGGGTTTCTCTCTCTCCTAAGACCTTGTATTCCCTCC  
CCCACTGAGCCCTCTAAGAAGATCGAGATGTACTCTCCAGCCTTTTACACTGCTTGTACTTTTGGTGGAAATCTC  
AGCTGTGGTCTTACTCATATGGCTGTTACTCTTGATTTGGTTAAATGTAATATGCAGATTGATCCTGCGAA  
ATACAAAAGTATTTCTCTGTTTTGGAGTTTTGCTCAAGGAGCAGGGTGTGAGGGGTTTCTTCAAGGGGCTGG  
GTGCCTACCTTCTTGGGTACAGTGACAGGGTGTGCAAGTTTGGATTCTACGAGTTCTTAAAGAAGTATTA  
CTCTGATATTGCTGGACCTGAGTACGCTGCTAAGTACAAGACCTTGATCTACCTTGCCGGTTCTGCATCTGCTG  
AGGTGATTGCTGATATTGCACTTTGCCCTTTGAAGCAGTGAAGGTTCTGTGTTCAAACCTCAGCCTGGTTTTGCT  
AGAGGTCTAGCTGATGGACTTCCCAAGTTCGTGAGATCTGAAGGAACCTTGGGTTGTACAAGGGTATTGTTT  
CACTCTGGGGACGACAGATTCCATACACGATGATGAAGTTTGCATCCTTTGAGACAATAGTTGAGATGCTATA  
CAAGTATGCCATTCCACACCAAAGGACCAAGTGCAGCAAATCTCTCCAGCTTGGTGTTAGTTTTGCTGGTGGAT  
ATGTGGCTGGTGTGTTTCTGTGCTATCGTGTCTCATCCTGCCGATAATCTTGTGTCGTTCTCAACAACGCCAAA  
GGAGCCACTGTTGGTGATGCTGTCAAGAAGCTCGGATTATGGGGTCTTTCACCCGTGGGCTACCTCTCCGTA  
TTGTGATGATTGGAACCTTACTGGTGCTCAATGGGGTATCTATGATGCCTTCAAAGTATTTGTTGGACTGCCT  
ACCACCGGTGGCCCGGCGCCTGCTGCTGCCCTGCACCTGCTGCAGCTGAGCTTGCAAAGGCGTGAGGTTGA  
TGCATGATAGACCAACAGGAGTTTTGTTGTTTTTCGCGAGTTGAGGAGAAACCTCTTCATAGGAAATTGAATA  
AACATAACCATTTAGCGATGCTGCTTACAGTCCTCAAAGCCTGAAGAATATCTTTATAGAATGGATGGACCCTT  
TTCCATTGGTTTTTTGTTTCCGTTTATTACTCGGCATTCATTGAATTTGTTAAGCCAAGGATGGTTTTGATCTC  
ATCCTTGTGCTAGCTTTTGGATACTCGGCATTCATCCTTGCTAGCTTTTGTAGTAGTTAAGAATTCAGATAGAG  
AATTGCAGTTTAATGGTTTTTAAAAACCATGTCAGGAACAAACTTGTTGTACCACCCATGTCAGCAACAACTTT  
CGCCAAATAAACTGAC

>trans\_c\_192 DQ004685|Hevea brasiliensis 12-oxophytodienoate reductase (opr) mRNA,  
complete cds

ACTCGGACCCACCAACCCCCACCAATCCAACGGTGAATGCTCCTTCACAGACCTGCCTAACTCTACTCCC  
GGA TGAACCCGATCCTTTTCCCCCTCCCTTCGCCGACCAATCGCATCAAGCGTTTCATTTCCACTTACAAATTCCTTC  
ATCATAATTTCCCCCATTCTATAAATGCGGAATCTCCAATAATAACAATATCTGATCGGAACTCATCGAAA  
ATGGCTGAATCTCCCGCTGGAAATGGAAGCGCTACACTATTCTCTCCCTTCAGGATGGGCAAGTTCGATCTCTC  
TCACAGAGTGGTTCTGGCGCCGATGACGAGATGTAGAGCTTTGGATGGAATTCGGGGGCAGCGCTGGCCG  
AGTATTACTCTCAGAGGTCCACCGACGGAGGATTTCTGATCAGCGAAGGAACCTTCATCTCCGCCACTGCTGC  
TGGATTTCCACATGTTCTGGAATTTACACTGACGAACAAGTGAAGCATGGAACCAGTGGTGGATGCTGTT  
CATGCCAAAGGCAGCATTATTTTCTGTCAACTCTGGCATGTTGGCCGTGCTTCACACCAAGTTTATCAACCTGG  
TGGGATGCCACCAATTCATCCACAAGCAAGCCCATATCGAAGAGGTGGAGAATCTTGCTTCAGATGGCTCT  
TATGGCACATATCCAAGCCCACGGGCACCTTGGAACCTACGAGATCGAGGCCGTGGTCGAGCACTATCGACAC  
GCTGCATTGAATACCATTGAGCAGGCTTTGATGGGATTGAGATCCATTCGGCCCATGGCTACCTCCTGACCA  
ATTCTTAAAGATGGTATAAATGATAGAACC GGCGGATACGGTGGATCTCTACGAACCGGTCTCGGTTCTTA  
TTGAAGGTAGTTCAAGCAGTGGTTTCTGCCATCGGATCATATCGTGTTGGCGTTAGAATTCGCCTGCCATTGA  
TCACCTCGACGCAATGGATTCCAATCCTCTCAAGCTTGGACTACACGTCGTGGATCAACTCAACAACTCCAAC  
AACAAGTTGGTGGAAAGCTGAGTTATCTCCATGTAACCTCAGCCAAGGTACACAGCCTATGGCCAAACCGAGTC  
AGGCAGGCCGGGAAGTGAAGACGAGGAAGCTGAGTTTATGAGGACATTGAGAAGAGCTTATGAAGGAACAT  
TCATTTGCAGCGCGGGTTCCTCGGGAAGTGAAGCGATCGAGAATGGAGATGCCGACTTAGTGT  
CGTATGGTCGCCTTTTCTATTGCCAACCTGACTTGGCTTTGAGATTTAAGTTCAATGCACCACTGAACAAGTAC  
GTTAGGAAGACTTTCTATACACAAGATCCTGTGGTTGGCTACACAGATTACCCTTTTCTTGAAAGTGCAAGTGG  
TGAAAATAGGGCTCTTCTCGGCTTTGATGGGACTCTTTGAGTATAACATTATTGCTTATTGTAACCTTTTGT  
TGGGTAATGCCTAATTGCATATATAGTCATAATAATAGTATTTGTTTGCTAATTATGTAATAATTCTCTATT  
TTAATGTCATAAGAAAATAGATTTATCATGTATGGAAGTGTTGCTAGCTACTTAAATGGATAAAAAGATTAG  
TCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_193 NM\_001068895|Oryza sativa Japonica Group Os08g0536000 (Os08g0536000)  
mRNA, complete cds

TCTGATCGGATCCACCTCTTTGCAGCGATCTAACTCCATAAACGCCGGTCAGAGCAATCTTTTGTTCGAGAAAA  
AAATGTGGGGAATCGTTTCGGCAAAAAGTCGGCGCAGGAGCCTCCTCTATTCCGGCTTTGCAAAGGCTTCGTCC  
AGCCGCCTCGGCACCGAGATACTATTCTGCGCAAAAGAGATGACCGTGAGAGATGCTCTGAACTCTGCA  
CTTGATGAAGAAATGTCTGCTGATCCTAAAGTTTTTTAATGGGAGAAGAGGTTGGAGAATATCAGGGTGCTT  
ATAAGATAACCAAAGGGCTTTTGGAGAAATATGGTCCTGAGAGGGTTCTTGATACCCCAATCACAGAGGCCG  
GGTTTACTGGTATTGGCGTTGGCGCTGCTTACCATGGTCTGAAGCCTGTTGTGGAGTTTATGACATTTAATTC  
TCCATGCAGGCCATTGATCATATTATTAATTCTGCAGCAAAAACAAATTATATGTCAGCTGGCCAAATTTCTGT  
ACCAATTGTCTTTAGAGGGCCTAATGGTGCAGCTGCTGGAGTTGGTGCCAGCACTCCAGTGCTATGCAGCA  
TGGTACGGGTCTGCCCTGGCTTGAAAGTTTTGGCCCCATATTCATCTGAAGATGCACGTGGGCTTTTAAAG  
CTGCTATAAGGGATCCAGATCCTGTGGTGTCTTGAAAATGAGTTATTATATGGTGAATCATTCCCTGTTTCC  
GCAGAGGTCCTTGATTCCAGTTTCACCGCTCCTATTGGAAAAGCTAAGATTGAAAGAGAAGGGAAGGATGTG  
ACTATTACTGCTTTCTCGAAAATGGTGGGCTATGCACTTAAGGCAGCTGAAGTACTTTCAAAGAAGGAATTA  
GTGCCGAGGTCAATTAACCTGCGCTCTATTCGGCCACTAGACAGAGCCACGATTAATGCTTCAGTTAGGAAGAC  
CAATAGATTAGTAACAGTTGAAGAAGGGTTTCTCAGCATGGGGTTGGAGCTGAGATCTGCACATCTGTTGTA  
GAGGAAAGTTTTGGCTATCTTGACGCGCCAGTGGAGAGGATCGCTGGGGCTGACATTCCTATGCCTTATGCA  
GCCAATCTTGAAAGAATGGCTGTTCTCAGGTTGAGGACATCGTTCGAGCAGCAAAAAGAGCATGTTACAGA

GCCGTACCATTGGCCGCAACTGGTTAATTTGCCCTTCCAATCTGGAAAAGTTTTCCCATCTTAGGGTAAGATTT  
AATGACTTATTCTGTCATTTTCTGTTCCCTGTTCCCTCAATCAAGGAGAAATTTCACTCTCCCTTGTAACAATAAAA  
CCTTTTGATGTTTAAAACTTCCCCCGCTTTCTTTAGCCAAAGACAATTACAACCATTATTCTTTAACGAGCA  
AGTCCAATTGAACTACAAGATAAGATACTTTTGTGACAAAGAAATATCTTTTCTTGCCAAAATCTTCACGGA  
TGTAGGATAAGATCGGTGGTCCGTAGAATGATTTTGAGTTTGTAGTAATATATTTGTTGATACTTGTAAGAATA  
ATAATTGGCTTAGCAGATGCACTGTACTGGGGATGGAACCAAGTTGTTAAAAATTAAGTTGGGAGAATATATT  
GACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_194 XM\_002868112|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At4g16144, mRNA

GTCGCGATTGTGAATTCGCCTCTCGAAAATTTACGGCCAAAGCCCTGAATCCTCTCCTACAAGACTGCAACCT  
CATCATGTCGACATTCAAGTTCAGCTTGAACCTCAATTCTTCGGTCCCACATTGATTCTTCGCGCTTAAGCAAA  
TTAAGCTGGTTTACGAGACACCGATTCAATCATACACGGGTTTCTACTGATTTTTCTTCAGATTTATTGCTATTA  
TTTCTCTCAATTGAAGATGAAGATCAACATCGATAGGGAGGCGCGGAAAGTTGCCGTTGATAATCGAATTCC  
CCTCCGAAATTACTTCCGGATCGCCGATAATCTCTTAAACAGGCTAATATCTATCGGGAAGAGAATAATGTTG  
TGGATTTGTTCAATTATACTTCTTAGGTTTTCAAGCTTGGTTTCTGAACTATAACCACGGCATCGTGATTATCAAG  
CTTTTTCCCAAAGGAGAAGATACTATAAGAAGAACTACTGAATGTAGTGGATGAACTTGAGTCCCTGAA  
GCCTGAATTTGATCGCCGAGTAAATGAACTGGAGAAAGTGTATGGACGACCTCGTCTTCTCTACCTGATGAG  
CAGGGAAGTGTTTCAAACAGTTTGCGGCCTTCTCTAAGGAACAGCCATATGCGAATGGAAATTATTGTTAA  
TGTTGGAGCAAAAGCAGCATGTGAATTCACGTCCCCAATCTTCATGGAGGTATAGTGATGACCGAGGCCAAG  
TTTCAATCAAGTTCCTTAAGGCTTCAGAATAAGTTCTCAACAATGTCTCTTAATGTACCGCTTCCCAAACCCG  
AACTTTATCTAGACATTCTATTTGGGACCCAGTGGTCTTCAGTGCCAATGGATGGGGCCAAGTACAGATAA  
GATTCAATATCCAAGAAATCAGGACTTTACTCCTGAAGATTCAAGACTGAATCAAAGTGAACATTGTGATCTA  
GTGGCACACAAAGATAGTGGTTCAGGCGGTGTTATGTCAATGATGGAGTCAGTGCTCTCACTAGATGATGGT  
AGATGGCCTAATCCCGCAGACATGTCTACTCCTCATTGATAACAGAAGTAATGGAGGATCCTTTCCCATTTGGT  
CAAACAACCTTCTCCTCCTCCGGTGCTTGCTAAGGTTTCAGCAGGAGTATGCAACAATTCCCCATCTAAAGTTG  
CAGATCCAAGGCCTGGAGTGGCAAGGCAATCACAGGATGAGTCTGAATCGTTTCAACGTTTACACATTCCAGT  
AAAAATGCTTGATGATTTCTTGAGATTGGCTCGGGAAAACACAAATAAGAACCTGGAACTTGTGGTGTTTTA  
GCTGGCTCTCTGAAAAACAGGATTTTTTACGTATCTACGCTCATAATCCCAAACAAGAATCAACATCAGATTC  
CTGTCAGACGTTGAACGAAGAGGAAATATTTGAAGTTCAAGACAGATTATCACTTTCCCTCTTGGTTGGATCC  
ATACACACCCATCACAAACCTGTTTCATGTCGTCTGTGGATTGACACGCATTACTCGTACCAGATTATGCTAC  
CAGAAGCAATTGCAATTGTCATGGCTCCAACCGATACGTNCAAGTCCATATGGAATATTTATCTATCCGATCCA  
GGCGGTGTATCAGTCATCCGAACT

>trans\_c\_195 XM\_002877911|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata josephin family protein, mRNA

AATCTAATCTAGGGTTTATAATTTCTCTTCTTTCTCCTCCCCCTCTTCTCCGACTATGGACGGAGCCTGC  
AATGGCGGCATGTTGTATCACGAGGTTCAAGAAATCCAAGCTCTGCGCTGTGCATTGCGTCAACACCGTCTTAC  
AAGGTCCTTTCTTCTCCGAATTCGATTTGGCTGCTCTCGTTCGGATCTTGACCGCAAAGAGCGCCAGATGATG  
CTTTCTGGTTCCACCACCGGTGATTTCTCTCCGAAGAGTCTCACAATGTCTCCTTAGACGGTGATTTACGCATC  
CAGGTCTTACAAAAGGCTTTGGAGGTATGGGATCTCCAAGTCATTCTCTCAACTCACCAGTTGCTGAGCCTGC  
GCAGATTGATCTCAACTGGAGAATGCATTTATATGTCACTTGCAAGACCATTGGTTTTGTATTAGGAAAGTGA  
ACGGGGAATGGTACAATTTGATAGTTTATATGCAGCCCCCTCAGCATCTTTCGAAGTTTTACCTTTACGCTTACT  
TGGACTCTCTAAAGGGCTTTGGTTGGAGCATTTTTATTGTTAGGGGTAAGTTCCCTAAGGATTTTCCATCTCAT  
CCTCTGAAGCATCCAACGGGTATGGTCAGTGGCTTTCTCCTGAGGATGCTGAGAGGATAACCAAATCGTGCAA  
CTCCACCCAAGCCCCCTCCTCCTCAAAGAGCAAAGTGGACAGAGCAGCAAGATACGTTTCTTTCATCTGGAG

AAACGGAAATGCTAATAGACATGGAGGATGAGGGATTTTGAAGGCTGCCATAGCTGCCAGCCTTCTGGACTC  
CTCAGCAGTCATGGCAGCAGGAGTTGCTAACCCTCCAAATGAACCTGTAGTTTCTCCACCCAAGCTGGCTCCC  
CTCAGAATGTACCTGCTGTTTCTTTGAAACTGCCAACACCCAAGATGTACTCGCTGTTTCCCCAAATGCCTCCA  
TCCTCCAAGATGTTACTGCAGTCTCTACAAAAGCTGCCACTCTGCAAGATGTACCTGCAATTTAGCCAAAGCT  
GCCTGCCCCCAAAATGTACCTAATGTTTCTCTGAAGCTTCCACCTCCCAGGATGTACGTGCACTTCTCCCGAT  
GCCGCTGATGCCCCCAAGATTTACATGCAGTTTCCACCACCAAAGCTGCCACCCCCAATGATAAATCTGCAGT  
CTGCACGGAAGTCGTCGTTTCATCAAAATGAGTCTGGAAATGAATCTGTAGGCAATGCAGACACTGCCTTCTGT  
GAAAGTGGATCTGCAGATAATACAGAATGTGCCATTTCCAGTCCTCGAAAGAAAATTAGTCGTACGAACGAG  
GGAGCTGCGTGAGGAAGAATACTTTCTGTCTTGAATATGATTTTTGGTTCAAGACGGACAAGAACCGGATTGG  
CTCATAAACAAGAATAAGAGAGTTTTGAGGAGAATGGGAACCCAGATCCTTATTGAAAGTTGAGGTTAGCTA  
GTAGCAGTCGAATTCTCATGCTTTACAATGGTTCTGTGCAGTGTAATTTTTCAACTTTTTTAATATTAGATT  
GATAATGTATAAACTTTTTAAAAAATAAGCCGTCGCTCGGCCCGGATTGTCACAACTGTTTCGATCAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_196 AJ414165|Nicotiana tabacum ORF1, ORF2 and partial ORF3, pararetrovirus-like  
sequence, V2

ATATGCTTTATGTGCTCTGGTGATTGCGTTGATTGCAGACTGTAATCTGGTTTGATGAATGCATTAGCTTTGC  
TTGTGGCCTCTGCTGTTTAACTGCACCTTTGAGTTGTCTATTGATAATTACTTGTAGTCAAAGAGACAGTTAGA  
AAGTTAGATAATTTTTGTACTGTACCCAATCACTTATTTGTGCTACTTGACTTTTCTACTAGTAGTGAGTTTAGT  
ATTTTATGAGTACTATTATTTGCTCTGGTTATTGTAGTTTTGTCTGCTTTCTTTTGTCTTCAAATGCTTGGACGAT  
CTTTTCTCTATCTTTTCACTTACTGGTCTCCTTTTCCCCAAGCAATTATTGCTTAGAATTTTGATTTTGATA  
TTTTGAATTTTGATAGTCACTTGTGCTCATCTTGGTTTGGGTGTATCAACCGCTATCTTGGTTTGAGTGTATCAA  
CCTGTTTGAAGAATATTGATTTTTCTTGGTTGTTGACTCGTTGCTCATCTGCTGGGAACCTTTGAAATGGGCAGT  
TCTTGTGTCAATTGATTTTTATTCCTTTCTCTCCATTATTATTGTCATACTTTTCGATCATTGTTTGTGGATGAT  
TGATGAAAGAATTAAGAAGGAAAAAAATCCATGGTGGTTGTGTTGGCTGAACTTGGTACTGGTTAGTATGT  
CGATGCTGTGTGGATCCAATTCTATTGTTGCTCTGCTATGTGTCTCTGTTTTGAAGAAAGTTGTTGGAGCAAC  
AACTTTTGTGAGGCTTGGATTTGAATGTTACTTGAAGCCCTTTATATGTATCTCTTATCTTTTGATGGTTTGGTT  
TTGTTGAGCAATTGACTGTAGAGAGAGATGCTATTTCACTTTTCACTGTGTGACTTTACTCTTTAGTTGTATT  
GGTTGATTCGAGTGCATAGTTGAGTTGGATGGTTGGACCAAATACATGTGTGCACGGTGACAAAGGCTGATT  
TCATTTTGTCTTGTATTCTCTGCTGTATTGATTAGCCGAAGTTGGCTTGGTTGATGGTGGGTGCCTGG  
CGGTGTGTTTTATGGATGACGATAAAATATTTGTTTCTCAATGCCCCCTTTTACTCTATATATTTGTTCAACCCC  
ATTTAGAATCTTGACTTGTTAACTTTACATTTTGTGACTGCGTTTTAGGTGCCAAATATTTGGAAATCTAGAA  
TTTGTAGGATGGATGTTAGAACTGGCATTGTTTTAATTTGAGGTTGCAAGTGTGAAGGAGTTAGTTTGTATG  
AAATATTTAAAAATAATCCCAAATGCCCTGATGAAGAGTGTATTATTAGATTTATGTTTCTCACATAATATTTGG  
CGTTTCTTGTGTTTTGTGTTTGGTGGAAATATGAAATGAGATGACACGAATGGACATCAACCCACTGGGACTGT  
GGAGGACTTAATATCAATCAACAAGACTTCAAATTTAATTGCTGCTGAAATTTTACAATTCCTTCTCTATGGCA  
TCACCTGTTGTTGAAGCTCATTCTCGGTTACCCATGGCTTCTCTGTAATCTTATGTCTCTTCATTTTTTTTTC  
CCCTTGAAATTATGAATCATATAATTCAATTTGTTTTGTTTCATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_197 XM\_002300111|Populus trichocarpa adenosylhomocysteinase/s-adenosyl-l-  
homocysteine hydrolase, mRNA

CTGCGATACTCTTCTTCTTACTCGCAGAAACAGAGAGTTTTTTGTGTTCTTTCTTCCCCAAATCTCTCACAAT  
GTCTCTCATCGTCGAGAAGACCGCCGCCGGCGTGAGTACAAGGTCAAGGACATGTCTCAGGCTGACTTCGG  
TCGTCTCGAGATCGAGCTCGCCGAAGTTGAAATGCCCGGTCTCATGGCCTGCCGTACCGAATTTGGCCCTTCC



CAGCCATTCAAAGGAGCTCGCATCACCGGTTCCCTCCACATGACCATCCAGACCGCTGTTCTCATCGAAACCCT  
CACCGCTCTTGGCGCAGAAGTCCGTTGGTGCTCCTGCAACATTTTCTCCACTCAGGACCACGCCGCTGCTGCGA  
TTGCTCGTGACAGTGCTGCTGTCTTCGCCTGGAAAGGAGAGACTCTTCAGGAGTACTGGTGGTGCACTGAGC  
GCGCCTTGGATTGGGGTCTGGTGGTGGTCCGGATCTGATTGTTGATGATGGCGGTGATGCAACTCTCTTGAT  
TCACGAGGGAGTTAAGGCGGAGGAGATTTATGAGAAGACTGGTGCCCTTCCTGATCCCGCTTCTACTGATAAC  
GCTGAGTTTCAGATCGTGTGACAATTATTAGAGATGGATTGAAATCTGACCCTAAGAGGTACCACAAGATGA  
AGGAGAGATTGGTTGGTGTCTGAAGAGACTACCACTGGTGTTAAGAGGCTTTACCAGATGCAGTCAAGTG  
GAACCTTGTTGTTCCCTGCCATTAATGTCAATGACTCTGTCACTAAGAGCAAGTTTGACAACTTGATGGATGC  
CGTCACTCTCTCCCTGATGGTCTGATGAGAGCTACCGATGTCATGATTGCCGGTAAGGTAGCTGTTGTGTGCG  
GTTATGGAGATGTAGGAAAGGGTTGTGCTGCTGCCCTCAAGCAAGCTGGAGCTCGTGTGATCGTGACTGAGA  
TCGATCCAATCTGTGCCCTCCAGGCTCTTATGGAAGGCCTTCAAGTACTCACCTGGAAGATGTTGTCTCGGAG  
GCTGATATCTTCGTCAACCACCACCGGTAACAAGGATATCATCATGGTTGATCACATGAGGAAGATGAAGAACA  
ATGCCATTGTTTGCAACATTGGTCACTTTGACAACGAGATCGACATGCTTGGTCTTGAGACTTACCCCGGTGTG  
AAGCGTATCACCATCAAGCCTCAAACAGACAGGTGGGTCTTCCCTGAAACCAATGTCGGCATCATTGTGTTGG  
CCGAGGGGCGACTCATGAACCTAGGTTGTGCCACCGGACATCCCAGCTTTGTGATGTCTGCTCATTACAAA  
CCAAGTGATTGCACAGCTCGAGCTATGGAACGAGAGGGCATCAGGAAAGTATGAGAAGAAGGTGTACGTGT  
TGCCAAAGCACCTCGACGAGAAGGTGGCTGCACTTCACCTGGGCAAACCTGGGGGCTAAGCTAACCAAGCTGA  
GCAAGGATCAAGCTGACTACATCAATGTGCCAGTTGAGGGACCATAACAAGCCTGCTCACTACAGGTACTGAG  
AGGAGAATTGTGGAGGCTTCATTTTCACAACTTAGTGATTTATGGTTAGGAAAAGTTTTTAAGGGGTTTTGTG  
TGTGATTTTAAATGTGTTTGGGGTTGGTGGTTTGAAG

>trans\_c\_198 NM\_001074756|Oryza sativa Japonica Group Os11g0600700 (Os11g0600700)  
mRNA, complete cds

ATATTAATTAACCAACCAACTATCTCTCTCTCTCTTCCATTTTGCATTCCTTTTCTACTCCCAAACGCGCTTTCT  
TTTTCTCTTCTTCCACGTTTGTTTTCCCCCTTTCCTCCCTCAATTTCCATCTTCTCATTCTTCTATCATCATCTCTT  
ATTACCCACTCCTCCTTAGGGTTCCTTTCTTTCTTCATTTCTCCGCCTCCGTTGGGTTTTGTGGACAATGAG  
CGATCACCTCGTCTTTACGTTGATAATTTATCCACCAGCTGCTCCACTTCAACCTTTATCCACCCCTTCAT  
CCTCTGCCCCGTGAGCCTCTTCCGACTCCCTGCGCTACGCTGGTCTTCGTCTTCTACTGCAACTCCTCAC  
GATCGGACGCTTGAGCCTGATGCTCCTAATGAGGATGACCCTCTGATTCTGGTGGCTGAGTGCCGTATTTGTC  
AGGAAGAAGACAGTCTCAGTAATTTAGAACTCCCTGTGCGTGAGTGGTAGTCTTAAGTACGCTCATAGAAA  
ATGCGTTCAACATTGGTGCAATGAGAAAGGAGACATAAATTGTGAGATATGTCATCAGCCTTATCAACCTGGA  
TATACTGCACCACCTCGTTCTGAAGAACTGCTATTGATATGGAGGGAAGATGGACAATCGCTGGTAACCCAT  
TAGACCTGAGAGATACTCGGCTATCGACCATTGCAGAGGCAGAACGACATTTCTTGAAGCTGAGTATGATG  
ATTATGCTGCCTCAAATGACAGTGGAGCTGCATTTTGTGATCAGCTGCTCTTATTCTATTAGCCCTTCTCCTTC  
TTCGGCATGCGTTGACCATAACAGATCCTGATGGTGATGATGATGCATCTGCCTTTTTCTATTTTCATGCTTC  
GTGCTGCTGGTTTTCTTACCCTGCTACATCATGGCCTGGGCCATTAGTATCTTGCAACGTCGGAGACAAAGA  
CAGGAGGCAGCAGCATTGGCTGCAACACAAGTGGCGTTTGTACTACAACATGAACAGCATAGAAGTTTACAA  
TTTGCAATTGCATCAACAGGAACGCCCTCACCCCTCAACCTCACGCTGCTGTTTGAACCTCAACCAATCATGTA  
ATAATACTATAATTTCTTCTACTTGCACTCGTCATTTTTACCGTCATTGCCAAATCTGACCTGATTTTTTGCTGC  
TGTAATCTGGGGATTATTTTCTGTCTTCCAAAAACCAGGTACCCTCACTAACAACTTATGTCATTTCCATCTG  
TTTTGCGGCCAATCTATCTTGTTTCATATTCTATTAACCTATTCGGCTCTTTTAGGAGCTAAGCAGAAAACCTC  
AGTGACTTGAATTATGTACATTTTGTTTAATATGAGAAACAAGGAAGATATTTACAAGGAAAAGTATGGGAT  
TTCCTTATGTACCATTCTTTCCTTCAAAGAATTCATGTTTCTTGCAATTTGGTGGAGATCTTATGACTTTGGG  
TGTAAGAATGTTACATCAGAAAGTAGTTTTAGAGTTTTCTTTTGGAGCTTATTATTTCTAGAGTTCACAAACATA

TTGCTGGTGAAATTATTA AAAATGCATCAATATTATAATTGAAATGCAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_199 NM\_001124949|Arabidopsis thaliana ASP1 (ASPARTATE AMINOTRANSFERASE 1); L-  
aspartate:2-oxoglutarate aminotransferase (ASP1) mRNA, complete cds

ATTCGAGGATTTCTCCACTTGGGCCTAAATCACTCTCTTTTCGCGCCTCTTCAAATCTCCTCTCCCCTTCTTTCTC  
GTCGGAATTTCATAGAGGAACAGTGAAAGAGAGTTCTACCACTATACTGTTTACGTTCCATGGCGTTGCAAGC  
TACGATTTCCAGGAAGGTTTTAAACCAGAAAAGCCTGAGATGCTTCGGAATCGGAGCTAGATCCATTTCTGTCT  
TGGTGGAAGAGCGTAGAACCGGCTCCCAAAGACCCGATTCTAGGCGTTACTGAAGCTTCTTGGCCGATCCGA  
GTCCTAACAAAGTCAATGTTGGAGTAGGTGCATATCGAGATGATAACGGAAGCCGGTGGTCTCGAATGTG  
TGAGGGAAGCTGAACGGAGGATTGCAGGAAATCTGAATATGGAGTATCTTCCAATGGGAGGGAGTATTAAG  
ATGGTGGAAGAAACACTGAAGCTGGCTTATGGAGAGAATTCTGACTTGATCAAAGATAAGAGGATAGCAGCT  
ATACAATCTCTCTCTGGAAGTGGAGCAAGTGAATTTTTGCTGACTTTCAAAAACGTTTCTTCCCGAATCCCAA  
ATTTATATACCTGTCCCGACATGGGCCAACACCATAACATCTGGAGAGATGCACAAGTTCCTCAAAGGACAT  
ATCATTATTATCATCCAGAGTCTAAGGGATTAGACTTTTCTGCACTCATGGATGACATTAAGAATGCTCCAAAT  
GGTTCATTCTTTCTGCTTCACGCATGTGCTCATAATCCTACTGGAGTGGATCCCACGGAGGAACAATGGAGAG  
AGATATCGTACCAGTTTAAGGTAAAAGGTCACTTTGCCTTTTTTGACATGGCATAACCAAGGTTTTGCTAGTGGT  
GATCCCGAAAGAGATGCAAAGTCCATCAGGATCTTTCTCGAGGATGGCCATCATATTGGAATTGCTCAATCAT  
ATGCTAAAAATATGGGACTCTATGGCCAGAGAGTAGGATGTCCTAGTGTGGTCTGCGAAGATGAAAATCAAG  
CAGTAGCTGTTAAAAGTCAGCTGCAGCAGCTTGCTCGACCGATGTACAGTAATCCACCTATTCACGGTGCGTT  
GGTAGTTTCAATCATCCTTGGGGATCCAGGCTTGAAGAAGTTATGGCTGAAGGAAGTTAAGGTCATGGCAGA  
TCGAATCATTGGTATGCGAACTGCTCTTCGAGAAAGCCTTGAAAAGTTGGGATCACCCTGTCATGGGAACAT  
ATAACCAAACAGATTGGGATGTTCTGTTACAGTGGATTAACACCCGAACAGGTTGACCGTTTGACAAGTGAAT  
ATCACATTTACATGACTAGAAATGGCCGCATAAGCATGGCAGGTGTGACAACCGGGAATGTATCATATCTGGC  
AAACGCCATTTCATGAGGTTACAAAATCTGTTTGAATGATGATTACGGCTTAGAAAATCCCTGTGCAAAAAATG  
ATACACTACAGGGAGAGCCCCCTGGCGAATAAAAAAAGGTACCTATTACTACAACCAATTTGAAGAGTTCCT  
TCCATCTTCCCTTTTAGTTAAAATATAAATAGGGAAGGGGTCTTACCTCACAGATTAAACATTATTTTTGTCTC  
ATAAATAATGTTTCTCTCTTTATTATCTTTTT

>trans\_c\_200 XM\_002892117|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata coproporphyrinogen III oxidase,  
mRNA

AATTCAATTCCTTAAAGCTATGTCTTCCACCCCATTTTCTCTCCTTCTTCTCCCTCCCCTTCCCCTCTCGCTCCCT  
CTCATTCTCACAGAAGCCCTCTTTACCTCTCGATCACAACCATTTTGCCTCCCATTCTCCAATTTCTACAAGAAC  
AAGTCCCTTCTTTTCAGGAAAAATCTCAGAACAGCATCTTCCCCATCATGGCTGTTTCTATCGAGAAGGAAAC  
CCCCATCGCCGAACGCCCTGATTCTTCTTACTGCATACGACAAAGCCACTGGAGGAATCTTTCGGTCTT  
CTTCTGTTAGGCCTCGCTTCGAGAAGATGATTAGGGATGCTCAGGACAGTGTTCGACGCTATTGAGAAAGC  
CGATGGTGGTGGTAAGTTTAAGGAGGATGTTTGGTCTAGACCTGGTGGTGGTGGCGGTATCAGTAGGGTTCT  
TCAAGATGGTGCTGTTTGGGAGAAGGCTGGCGTTAATGTCTCCGTTGTCTATGGAGTTATGCCTCCTGATGCT  
TACAGAGCTGCCAAAGCTGCTGCTGCTCATCAGAAGCCTGGTGATATTCATTCTTTGCCGCCGGGATTAGCTC  
AGTTTTACATCCTAAGAACCCCTTTGCACCTACTTTGCATTTCAACTATCGATATTTGAGACGGATGCTCCCAA  
AGATGCCCCCGGTGCACCTAGGCAATGGTGGTTTGGTGGTGGGACTGATTAACTCCTTCTACATCTTTGAG  
GAAGACGTCAAGCATTTTCACTCGGAACAAAAAAAAGCCTGTGACAAATTTGATCCATCCTTCTATCCTCGATT  
CAAAAAATGGTGGCATGATTACTTCTATATCAAGCACCGAGGGGAAAGGCGAGGTCTTGAGGAATATTTTT  
CGACGATTAAATGACTACGATCAAGAGATGCTTCTAGCATTTGCCACCGAGTGCGCCAATTCTGTGATTCCTG

>trans\_c\_201 NM\_112175|Arabidopsis thaliana VCS (VARICOSE); nucleotide binding / protein homodimerization (VCS) mRNA, complete cds

>trans c 202 XM 002871540|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutaredoxin family protein, mRNA

AAAGGCCTTCTTCTTTCTTCTTTCTGTCCTTCTTCTTCTTCTGTCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTC  
TCTCTCTCTCTTGAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAGCAAACAACATTTCTCGCTTACTAGC  
TACGCATATAGGAGATTGATTTCTTTCTCATCAAAACCATTATCCAACCTCAAAAAAACCATGCTTTAACA  
ACCCCTTTTTCTGCTTCTTCTCTCTCCAGATTATTGCCTTCTTTCTCCATCTTCTGCTTCAATTTACGT  
TTTTCTGTTAGGTAATATCATTTCCCTTCTCACTATTGTATTTGGTATTTGGGTCCATGGCCGAATTTGATCGAA  
GTACGCAATTTCCGAAAACCTAAGTCTTCTTCTTCAATCGTTCCCTTACCTTGCCTCTCTCCATGGATT

TTCCACCAAGAAACCTACCTTCGAGCCTCTCTCAATCGGACGGATTCTGTCAAAAAGTATTACAGCCCTTTGG  
AATCCATAAAATCTGCCAGCAATTCATTTAAAGGGAAGGTCAAGCAATTGTGTAATTTGTTTCGAGGGAGCTAA  
GTCTTCTTCTTCGCCCTCCGAAGGATCCCAACATCAAATTCAGACCAAGCTCAAATCCACTAAATCCTTTGGTTC  
TGATTTCCGGGTTCTTCCATCCGATTGCCGGGCACTGAAGATAGAATTGTGGTGTATTTGACCAGTTTGCGA  
GGAATTCGAAGAACTTACGAGGATTGCTATGCCGTGAGGATAATATTCCGAGGTTTTAGGGTTTGGGTAGAC  
GAGCGCGACATTTCAATGGATTCTGCCTACAAGAAAGAGTTGCAGAGTGTTTTGGGCGAGAAAAATGTGAGT  
TTGCCTCAAGTTTTTATTAGGGGCAAGCATGTGGGAGGAGCCGAGGTAATCAAACAACCTTTGAAGCTGGA  
GAATTGGTCAAGATTCTTGAGGGGTTTCCATTCCGGAACCCGGGTTTGTCTGTGAGGGTTGTGGAGATGTA  
AGGTTTGTTCCTTGTATGACTTGCAGTGGTAGCAGGAAGGTATTTGACGAAGATGAACAAGTCTTGAAGAGG  
TGCTTAGATTGCAATGAGAATGGATTAATTCGATGTCTGAATGCGCTTCTCTGAATCTTCTCGAAAAGGATGG  
AAGGAACAAACCAACCGATGTTCTTCGGTGTGTATGTCAGATGCTTTGTTGTTGATAAATAATCACTAAACCT  
CACATTATTGATTGTGGATGTGCCTACATAAGTTTGGAGTTTGGACTCTTTGGTTAATGGTTTATTGTTTAGCCA  
AGTGTTTCATCAGTTGGGTACTGGTGTTCATGTACTTTGTGAACAGCATTTTGGTAATAGTGTATGTTATCAATG  
TGCAAAGTCGAGTCATGTTTTTTTTTCTTTGGGTTTCTTTTTTCAATTTGACCTGTTACAGGGGAAGCTAATTCC  
CCTCTTATGGGAATGTAAATATCTAGTGCTATTTGCCAACACCAATTTGCAGAGGTTGCAATTGATGTATTCTT  
ACTAAAAGGGTTTGTTCATACCCATATCTATACCTATCTTTAAATTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_203 BT020466|Arabidopsis thaliana At5g65140 gene, complete cds

TCCACCATAACTCTCTCTCTCATCTCTTCATCTGTTTTCTACCTCAACTCCCCATTTTCCCTTTCTCCAATCC  
AATTCCAATTGGGTTTTCTTCTTGAGCTTTTTTAAGTTCTCAATTTAAGGAACTCTCCAATTTAATACAACA  
AAGGAAAAACAGAGTATTGTAATTGTGTAATTGGATATGACGAACCAGAATGTGGTAGTTCCGATACTAAAT  
CCGGCATCAATATGTCCATCACCGTTGCTGTTCTAACTCCTCTATTTTCGCCACCACCGCTCAAAAACCCCCAC  
CTGCTCCCGCGGTGGTGGTGGTGGCGGTGGTTACATCTCCATTTCCCGTAAAAAATCCTTAAAGACCTTGA  
TGTTAATGGCGGTTGGATTGAATCAATGAGAGCTTCTCTCTACCCATGTTAAATCTCTCCCTTCACTCTCTGC  
TTCCGATGACCACCACCAAAATTTTGATGCTTCATCATCTTCTGCACTGGATATGTTTCGATCAGATAATTGA  
AGCTTCTAAAGGGAAACAAATTGTTATGTTTTTGGATTACGACGGAACCTTTTCTCCGATTGTTGAAGACCCCG  
ACAAAGCCTTCATGTCCGAAGCTATGAGGAAGACGGTGAAAAAGCTGGCTAGTTGTTTTCCGACCGCCATCGT  
AAGTGGCAGATGCAGAGACAAGGTTTACGGATTCATAAGACTGGCGGAGCTTTACTACGCCGGCAGCCATGG  
AATGGACATTAAAGGTCCAACGAAAAGCTCCAAAATCAAGAAAGCTGTTAATCAAGGTCTTCTTCCAACCA  
GCTAGTGAGTTTCTTCTATGATAGACGAGGTTTATCAACAGCTGGTAGAGAAAATGAAATCAACTCCAGGAG  
CCAAAGTGGAGAACAACAAATTTTGTATCTCAGTGCATTTTCGATGTGTTGATGAAAAGCAATGGAATGATTT  
GGCCCAAGAGGTGAAATCAGTGGTTAAAGAATACCCCATGCTCCGACTAACCCAAGGAAGAAAGGTATTGGA  
AATCCGTCCGACTATCAAGTGGGACAAAGGCAAGGCACTCGAGTTTTTGTAGAATCACTAGGGTATGCAAAT  
TGCTCCGACGTGTTCCCTATTTACATCGGAGATGATCGTACGGATGAAGATGCATTTAAGGTTCTAAGGGAAA  
GAAATCAAGGCTTTGGGATTCTTGTGTCCAAAATTCCTAAAGACACTCATGCTTCCTATTCTTTACGAGAACCTT  
CCGAGGTTATGTACTTTTTACAACGTTTGGTGCAATGGAAACGACCATCTTTATTAAGAAGAAGACCTTGCA  
GGTTTGAAATTAGTCGAAAGTGAGGGAAAGAATAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGACACCCTTTAAAGGA  
AATGTTTTGTTTTAAGTGTGGGGGTGAAGGGGAAATTCAGTGAATTATTGTTGTAATTTCTTTTTCTAGGG  
ACTATTAGTTTAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAGGAGAGGGGGAAATAGGAAAAAAAAAAAAACACAA  
AAGATTGTAACCTTTTTCTTGGCCTGGGTGCCCTTCTACTACACATATCTTGAACTAATTTGTTTCTTTTTTC  
CTATAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_204 HM122528|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL12) mRNA,  
complete cds

>trans\_c\_205 NM\_112794|Arabidopsis thaliana SWIB complex BAF60b domain-containing protein (AT3G19080) mRNA, complete cds

[illegible]

CTTTCATAATTAATTGGACTAACCTTATCAATTCTTCTATACTTCCCTTAGCTTTCAAGGTAGCTGTTTAAGTTAC  
GTTCTTAAAAAAGAACCAAAAGAAGAACAAAAAGAATGTCCCTCTTATTTGACTAACTACATTTTGTGTTGTA  
ATTATCACTATTTTGCCAAAAAAGCGGCCGCTCCCTCCTCAAGAAAATTAAT  
ACTACCGACCACGACGAGGG

>trans\_c\_206 AF479199|Valeriana officinalis 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CCCCACCCGCTAAAGTGGTAAAGAAGGGCTCTTTGGGGTCTCATTTTCTTCTATCTGACAGGACTCAAAAATA  
GGAAGGGATGACACTCGATTCTCGATCGAATCGGAGCGACGAAGGGCTGAATCTCAGTGGATCGTGGCAG  
CAAGGCCACTCTGCCACTTACAATACCTGTGCGGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGG  
TGGAATTACGTTACAAGGCGGCCCCGCGACTCATCCGTACGAGGGCTTAGCCAACGACACGTGCCTTTGG  
GGGCCGAAAGGCCCTACTGCTGGTTCGGCAATCGAGCGATAAGCACATGCGTCGCTTCTAGCCCGGATTCTG  
ACTTAGAGGCGTTCAGTCATAATCCAGCGCACGGTAGCTTCGCGCCACTGGCTTTTCAACCAAGCGCAATGAC  
CAATTGTGCGAATCAACGGTTCCTCTCGTACTAGGTTGAATTACTATTGCGACACTGTCATCAGTAGGGTAAAA  
CTAACCTGTCTACGACGGTCTAAACCCAGCTCACGTTCCCTATTGGTGGGTGAACAATCCAACACTTGGTGAA  
TTCTGCTTCACAATGATAGGAAGAGCCGACATCGAAGGATCAAAAAGCAACGTCGCTATGAACGCTTGGCTG  
CCACAAGCCAGTTATCCCTGTGGTAACTTTTCTGACACCTCTAGCTTCAAATTCCGAAGGTCTAAAGGATCGAT  
AGGCCACGCTTTCACGGTTCGTATTCGTACTGGAAATCAGAATCAAACGAGCTTTTACCCTTTTGTTCACACG  
AGATTTCTGTTCTCGTTGAGCTCATCTTAGGACACCTGCGTTATCTTTAACAGATGTGCCGCCCCAGCCAACT  
CCCCACCTGACAATGTCTCCGCCCCGATCGGCCCGCCGAAGCAAGCCTTATGTCCAAAAAGAGGGGCGAGTG  
CCCCGCTTCCGTTTACGGAATAAGTAAAATAACGTTAAAAGTAGTGGTATTTCACTTTGCGCTTTGGGCTCCC  
ACTTATCTACACCTCTCAAGTCATTTACAAAGTCGGACTAGAGTCAAGCTCAACAGGGTCTTCTTTCCCGCT  
GATTCTGCCAAGCCCGTTCCCTTGGCTGTGGTTTCGCTGGATAGTAGACAGGGACAGTGGGAATCTCGTTAAT  
CCATTCATGCGCGTCACTAATTAGATGACGAGGCATTTGGCTACCTTAAGAGAGTCATAGTTACTCCCGCCGT  
TACCCGCGCTTGTTGAATTTCTTCACTTTGACATTAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCG  
CAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTAAACAGTCGGATTCCCCTGTCCGTACCAGTTCTGAGTTGACTG  
TTCGACGCCCCGGGAAGGCCCCCAAGGAGCCGTTCCAGTCCGTCCCCCGGCCGACGCGGCGACCCGCT  
CTCGCCGCGAAGCAGCTCGAGCAGTCCACCGACAGCCGACGGGTTCTGGGACTGGGACCCCCGTGCCAGCC  
CTCAGAGCCAATCCTTTTCCGAGGTTACGGATCCATTTGCCGACTTCCCTTGCTTACATTGTTCCATCGACCA  
GAGGCTGTTACCTTGGAGA

>trans\_c\_207 NM\_001063214|Oryza sativa Japonica Group Os06g0129200 (Os06g0129200)  
mRNA, complete cds

ATTGATTAAAAAAAACGAAATTTATATAAATAAATTGAGTTGATAGATAGAGTTCTCCGTCTCTCCAAAGAG  
GGCACAAGCAGTTCTTATTTTGTCTTTGCATAATGAGATAATCCACAAAAATCCATACACCCAACTACAAAT  
TCTTCATTTCAATTCGTTTTCTTCTCTTCCCTCATCCAAAGTCGACAAAAATTTCCAGAATTGGAAGAGTATTAG  
AACGGTACTTTGAGGTCTGTAAATTCAACAGCGCACAAATATGGATATTGCCCTGCCCTTGAAGGAGGGCAGA  
GCTGAAGCATCCAGTTCCCGTAACTTAACATGGCTATAGTTGGCGCAACAAATGAGTGGAGAGGAAATAGC  
CCCCAATCTTCTCAATCCATAAGATTGAAGTATACGTCAACCTTAATTTTCTTTGGATTGCTGTCTGAAAAT  
GTTGCACTGAGATTTTCATCTCTCAGCAAAAAGGAATTTGGACTCATTGGGCCCTGCTTGATTGTCTATTCATGT  
ACTTTAGCCCCATCCTGATTTGAACTGTCTTAGAAGTACATGGAGAGAGCGAATAGATCTTGAAGGCAGATT  
CAGAAAAAAGGGTTGTTTACATCTGAAGCAATGTCCATACTTCTAGTATCAAATTTGCAGATTTAAGCCCCAC  
AAAAAATGTTTTGTTTCAGCCCTCGGCTTTGCTTTGTCAATTAACAGCCCATCTGCCCCATTTGGAGATGAACT  
TCGAAGATCTGCTCAGGAACAAGTTGAGTACATGTTAAGGGCAGACGCCGACACGTCATTGGTAATAAAGGA  
CGATGAAGTAAATCCGTGTTGAAAACGGGACTTTTTAGAACTTGTAGTTCATTTGAGAGGGAGCTATCTTCC

CTTCTTTTGGAGCCTGACCTTGCATCTCAAGCCAACGAAGACAAAATTCTGAGGACATTATCTGATCTTGAATG  
GATATGTTCTTTACTTCCTAAGATGAACTTAATGAAAGACTTCGTTTCCAACCTGGATCGAGATATCTGGGAACA  
TTCTGAAGGTAATCGAGGACGAAAAGTTGAACTCCTTAATGTGGGGTTTAAAAGTTAAGCTGATTGAGATGA  
CCAACAAAGCCTTGAAGCTGTTGGCTATGGCACCGTAATTCTTCTGCACCATACCGCTTGTCTCTACTTAAA  
TTCTGGCTTCCATATATCAGGAAGATGAAGCCTCTACTGGATTGCAAGTGCATTGCAGAGACAGATTTTCGTTA  
CAAGATGGACGAAGAACTGTGCATGAACATTGAGGGGGCAATTGTTTCTATGGTATTGGCATTGCCTTCAAAT  
GATCAAGCAGGTATCTTGGCAGAGTGGATGAAAGCTGAGGAAATACAATATCCTGATTTAACAGATGCTTTTG  
AATTGTGGTGTTATAGGACCAAATCTGCAAAGCGGAGATTGATTGAAGGTTTTGACGGAGCTTGCTCTGACAA  
TAGTGATGATGGTACAATCAGCTTTTAAATTCTACTGTTAACAATATCTCCGGTGGATTCAAATGCTTCTTATTC  
ATTCGAGCATAGAAATTATATACATGTTCCATTAATAAAAATTATCTTTCTGAACTTACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_208 AJ875407| Glycine max mRNA for N-rich protein (nrp gene)

CCACTTCTTCATTTTCTCATTACACTTGCTTCCACTTCTATTTTCTTCATTTTCCCATCTGGGTTTTTATTTTCT  
GAGTTTTCGGGTGTTTTCTGAGGTTGGTTTGTAGACATGGAGAATAACCCCAATCGTTCAGGCAATTCAGC  
GATCAGCTTCGAGTGCAAACCTGGGAATCTCGCCAACCTGTCGCTTAACGATTCTATCTGGAGCAATTCGCGCA  
CTCTAAAGAAGCCTGAGGAGAGGAGGAATTCGATGTAAGAAATGGTGGAGAGGTAAATTTCTTGAATAATT  
TTAAGCCTAAAGTCTCTGATTCTGATGTTAATCGGTTCAATGATGGATAAGATAGTTTTAAGCCGAGTGTTGCT  
TCTGATCTTAATAACTGGAGTAATACCAGCAATAGTATGAATATGAGTTCAACTGGGTATGAAAAGAATGCAC  
TCAATGTGTTTGATAATGGGTGGAATAGTTTCAAGTCAAAGGGGTCTGATTTTAATGCCTTCAATGATGGTTG  
GAAGCTTAATTCTGCTAATATGGGGGTGGATCCTGTGATTGGAGGAGCTCAAAGGGTATTAATGGAGGCTT  
TAACAAAGGGGTTTACTCGAAAATTGGGAATTTTAACAGTAACAGTTTTGTAAATCTGAAGAACTACAAGAAC  
AGTGGGAAGGTTGAAGAAGAAAAAGGAGGAAAGACTGGGAAGAAGAACAGTAACAAGAACAACAGTGGTG  
AAAATAACAATGATAATAAGGAAGCTAATAAGAATGGTTTAGACAAGAGGTTCAAGACCCTTCCCCCTCAGA  
GTCTTTGCCAGAAATGAAACAATTGGTGGATATATCTTTGTCTGTAACAATGATACTATGCAAGAGAATCTCA  
TGAGGCAGCTTTTTGGTTTACCTCCAAGATACAGAGATTCAGTCAGGGCCATCACTCCTGGGTTGCCTATTTTC  
CTTTACAACATTTCTACCCATCAACTCCATGGAATCTTTGAGGCTGCAAGCTTTGGAGGAACGAACATTGATCC  
AACTGCCTGGGAAGACAAGAAGACTCCTGGCGAATCTCGTTTCCCGCGCAGGTAAGAATTGTGACTAGGAA  
GATATGTGATCCTCTGGAAGAGGACTCTTTTAGACCAATTCTTCACCATTACGATGGCCCCAAGTTTCGGCTCG  
AACTCAACATTCCAGAGGCACTTTCTCTGCTGGATATATTTGGAGAACAATCCTCCTGAACACTAGAACGTGCT  
CATACACTAGACAGAGACATATACAACATAAGTACACAAAACAATCTATAGTATGGCCAACGAACGATTACAA  
CGGTTGAAAGAATGCATTGGTGAGTTTTGGGAGTTTGAAGAATCATCATCATCATCATCATGTCCTTTTA  
AGCTATAAATATGTTTGTTCTTTGTCTGGTGTGGCTAATGTGAATGAACAAGTGTTACAAACAGTACTTTGG  
AAGTTAATGTAACAATAAATGAACATATATTGTAATGTTTTATGTTCTGGTACTGTATGGGGTTACATTATAG  
GGAGATGAACTTGTTTCGTCCTAAAAGTTTTAACCTGAAATGGAATAACAGAACAATGATGATGGAGTATTG  
AATTGTGTTACATATTTTG

>trans\_c\_209 AJ240053| Solanum tuberosum mRNA for plastidic phosphoglucomutase

TCTGCTGTAATACGAAAGAGGCAGGCCAATGGAGGATTTATAATGAGTGCAAGCCACAATCCAGGTGGGCCT  
GAATATGACTGGGGCATTAAAGTTTAATTATAGCAGTGGGCAGCCTGCACCTGAATCAATTACAGACAAAATAT  
ATGGAAACACTCTTTCTATCTCTGAAATAAAATTTGCCGATATTCCTGATGTTGACCTCTCACGCCCTTGAGAA  
ATCAAGTACGGGAACCTTCAGTGTTGAAGTTGTAAATCCTGTTTCTGACTATTTGGAGCTGATGGAGAACGTAT  
TTGATTTCCCACTCATAAGAAGTTTGCTTTCACGTTCAAATTTAGGTTTGTATTTGATGCCATGCATGCAGTAA  
CTGGTGCTTATGCAAAACCAATTTTTGTGGACAAGTTAGGAGCGAGTCTGGACTCAATTTCTAATGGAATGCC

>trans\_c\_210 NM\_114720|Arabidopsis thaliana phosphoesterase family protein (AT3G48610)  
mRNA, complete cds

>trans c 211 AF106957|Nicotiana tabacum dual-specific kinase DSK1 (Dsk1) mRNA, complete cds



ATCTGTGGCCTCAAATCAAAAATGTGTCTATTGGATTCTCAGAACCATAACATTTTCGGAAGGAAAACTTTAT  
CCAAGTCCAAAAGAAGATTCTTAGATTGTCATCAACTCCCAAGGTGCCATTAGTAATCCTACAAGTCTTGAG  
AAGTGTACGACTTTTGAAGATATGAGGCTCAACCAGTCTGAGAGAAAAGACTACATTGTGGATTCAAATATCA  
GGGATGCTGTCTCCTTGGGCAGAGCATCCTCTGCACCGCCTCCTCTGTGTTCAATATGTCAACACAAGGCTCCA  
GCTTTTGGAAAACCTCCTAGACAGTTCTCACTCAAAGAGCTCGAAGAAGCAACTGACAGATTTTCAGATATGA  
ACTTCTTGGCAGAAGGTGGTTTCGGAATTGTACATAGAGGAATCTTGAGAGATGGCCAAGTTGTAGCCGTGA  
AGCAGTTGAAATGTGGAGGCTTACAAGCAGATGCTGATTTTTCTCGGGAAGTTTCGAGTATTGAGTTGCGCACA  
ACACAGAAATGTTGTGTTGCTGATTGGATTTGTATAGAGGACACAACGAGGTTATTGGTTTATGAGTACATA  
TGCAATGGTTCGTTGGATTTCATTTACATGGGAATGGAAGCCAGTTAGATTGGCATTCAAGGCAGAAAAATAG  
CAATAGGAGCAGCACGGGGTTTGC GTTATCTTCATGAAGATTGCAGAGTCGGATGTATAGTGCATAGAGACA  
TGAGACCTCACAATATCCTCCTAACACATGATTTTGAACCCATGGTTGCTGATTTTCGGACTGGCGAGATGGCAT  
TCTAAATGGTCTACCAGTGTTGAGGAGCAAGTTATTGGAACCTCAGGGTATCTAGCACCAGAGTACATCAATG  
GCGGTATGGTATCACATAAAGTGGATGTGTATGCATTTGGCATGGTTTTATTAGAGTTGATTAGTGGCAGAAG  
AAGCTGTGAGCTACACCGTCTAGAGGGAAAACAATTCATATCAGATTGGTTCCACCCCATCTCTGCCTTGCAA  
TTCAACATTTACTAGCTAGTAGTAATCATTTAGTCGATCCATGCATGGCGTCCGAGCAATCCCCGACTTCTATT  
ATCAACTGCATTCTATGGTTCGTGCCGCGTCCTTGTGTCTATGTCCAGATCCTGAATCAAGACCCTCAATGTCA  
AAGATTCTTCGAGTACTCGAAGGAGGAGATCCAGTTGTTCTCTTGGTTTAGACTTCGACCCAGTCGGCTGCA  
GAAGTGCACACTTGGACGGTTTGACGTCTCACAACCAATCGAAGCAAGAAGAAGCCATACTCGTACACTCTC  
ACAATGAAACAAAGATAAAGTTTTGAATAGAAAAGGTCAAAGAATTTACAAAACCTTTTCACATTTGCTGTCCA  
TTTTTTCTCCAATCAATCATAGCCATCACCTAAATTAGGTTCAAATTTATTGATCTCTTTAGTGGTGTGATTGT  
TTATTTCCATGCCTGTATATTTTATATTTAGATTTGATCTGCAAAGGGATTGAATCTCAAATCCCCAATGTAT  
TTGGATTTGACTTGTGAATTGTGATTAATGATTATACACATGAGGCTTTAGTTTAAGCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_212 XM\_002531843|Ricinus communis Stearoy-ACP desaturase, mRNA

GGCACACAAAAAGCCATTTTGTAGAGAGAGAGAAAGAAAAAGAGAAAGAGAAAGAGAAAGAGAAAGAGA  
GGAATTGAGGTCGAAAGTGGCCATTGCCGGCAGGTAGTCTTAGCATCACATTCATTACATACGTAAAGTGGC  
CTCGGTTTCTTCAACTCCGGCGCCGGTATCCTTCTTCTCTTCCCTTCACGTACCGTTTTCCGACTAACTCGCTG  
GAATATTCAACGTTGATTACGGAAGTCTGAAAATGGCGCTCAAATTCATCCTCTCACCTCTCAATCTCCTA  
AGTTGCCGTCTTTGCGATGCCGCAGCTTGCAAGTCTCAGATCTCCTAAGTTTGTTATGGCCTCCACTCTCCGCT  
CCACCTCCAGGGAGGTTGAGACGCTTAAGAAACCGTTTATGCCTCCAAGGGAAGTGCATCTTCAAGTAACTCA  
CTCAATGCCCCCTCAAAAGATAGAGATATTTAAATCTTTGGAGGATTGGGCTGAAGAGAACCTTTTAGTTCATT  
TGAAACCAAGTGGAGAGGTGTTGGCAACCACAGGATTTTTGCCAGACCCGGCATTGATGGATTTACAGAGCA  
GGTTATGGAGCTTAGAGAGAGGGCAAAGGAAATCCCTGATGATTACTTTGTTGTTTTAGTTGGAGACATGATT  
ACAGAAGAAGCCCTTCTACTTACCAGACAATGCTGAATACTTTGGATGGAGTCAGGGACGAAACAGGAGCA  
AGCCCCACTTCTTGGGCAATTTGACAAGGGCTTGGACTGCTGAAGAGAACAGGCATGGTGACCTTCTGAAT  
AAATATCTTTACCTATCTGGAAGAGTGGACATGAGGCAGATTGAGAAAACAATTCAGTATTTGATCGGATCGG  
GAATGGACCCAAGGACTGAAAACAATCCTTACCTAGGATTTATATACACCTCATTTCAAGAAAGGGCAACGTT  
CGTCTCCCATGGGAACACTGCCAGACTAGCAAAAGAGCACGGAGACATAAAGTTAGCTCAAATATGTGGAAC  
AATTGCTGCAGATGAGAAGCGACACGAGACTGCATATACAAAAATTGTCGAAAAGCTCTTTGAGATAGACCCT  
GAAGGAACGGTCATAGCTTTTGAAGACATGATGAGGAAGAAAAGTCTCAATGCCTGCTCATCTGATGTACGAT  
GGCCGCGACGACAACCTTGTGATCACTTCTCAGCAGTTGCACAGAGGCTTGGAGTTTACACAGCGAAAGACT  
ACGCAGACATATTGGAGTTTTTAGTTGGGAGATGGAAGGTGGAAAGTTTGAAGTGGACTGTGGGGCGAGGGA  
CAGAAGGCTCAGGATTATGTGTGCGGATTACCTGCAAGAATTAGAAAAGCTAGAAAGAGAGCTCAGAGTCG  
GGCAAAAGAAGGTCTACGATTCCGTTAGTTGGATTTTCGATCGGCAGGTTAAGCTGTAGAAGGTGAAAGG

AGTAGGAAGGAAGGGAATCTGAAGAAGAGGAGTTGATGATGGGGAAAGGGAAAAAAGGAGAAATCAATTC  
ATCATTTGGTGTACTTTGTCTTTTAAATGTGTTGAAGAACAATAATGGTCAGTATCATCTTCTTTGCTCTGTTTTG  
TCCATTCTTCTCTCTTTATCTCTCTCTC

>trans\_c\_213 XM\_002888563|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TAATATTAGTGATGTTAGTTGTAGTCCATCGGATACTGAATCTGATGATGATAATGATATTTGCTCCCCGCAGG  
AGCCTCCAACAACCACTCAACGAAGTGTAACATGCTTCAGGGATGTAGAAGTGTTGATGAGTTTGAGAGACT  
AAACAAGATCGACGAAGGCACCTATGGCATCCACAAAAGAGCTAGAGACAAGAAGACTGGGGAAATTGTGG  
CCTTGAAGAAGGTAAAAATGGAGAAGGAGAGGGGAAGGGTTTCCGCTGACTGCTTTGAGAGAAATAAATATTC  
TTCTTTCATTCCATCACCCATCCATTGTTGATGTGAAGGAAGTTGTCGTGGGGAATAGTCTTGATAGCATCTTT  
ATGGCCATGGAATACATGGAACACGATCTTAAAGGACTTATGGAGACCATGAAACATCCTTTTACTCAGAGTG  
AAGTAAAAATGCCTAATGATTCAGCTATCGGAGGGTGTTAGGTATCTCCACAGTAACTGGGTGCTTCATAGAGA  
TTTGAAGACGTCTAATTTGCTCTTGAACAACCAAGGGTGAAGTGAAGATTGCGACTTTGGATTGGCTCGTCAG  
TACGGAAGCCCTTTGAAGCCATATACACATTTAGTTGTTACACTTTGGTACAGGGCACCTGAACTACTGTTGGG  
AACAAGACAGTATTCAACCGCCATTGATATGTGGTCATTGGGTTGTATCATGGCCGAACTTTTATCCAAGGAA  
CCTCTTTTTAATGGGAAAACTGAAGTTGAGCAACTAGATAAGATTTTTAGAACTCTAGGCACTCCAAATGAGA  
CTATTTGGCCTGGATACTCCAAGCTACCTGGTGTTAGAGTCAACTTTGTCAAGCAGCAGTTCAATCAGCTTCGT  
AAGAAATTCCTGCCACATCATTTACTGGATCTCCAGTCCATCTGAATCTGGGTTTCGATCTGTTGAGCAAACTT  
CTAGCGTATGATCCTCAAAAAGAGAATATCAGCTGAAGAAGCTCTTGATCATGAGTGGTTCGTGAAGTGCCTC  
TCCCAAAGTCCAAGGAGTTTATGCCACCTTCCCTGCACAGCATGCTCGAGACAGGAGAATGCGAAGAATATT  
AAGAAGTCCAGACCCCTTGAAGAGCAACGTATAAAGGAATTGCAGCAGCAGGAGTTAGGAACTACTGGCCT  
CTTTGGTGAGAGATGAGCTGTCAAGTTATGGCTGAGGCTCTGTCTACCATTATTATTAGAAATTGGTTTTAT  
GAAATTGGTGTGGGAGAGAGTTGAATTGAATAAGTGAATATAGCACTGCTTTTACCAGATAATTGGTGCT  
GGTTGGTCTTGGACCATGTCCTGGTAGTTAGTGAAAATATGTATATTGTGCTCTCAGGTGAACTTTGTTTTCAA  
GGCATCTGAAAATGAATGCATGTGTAGCACTTACGTCATTAGTTTTTAGCAATAGATGCTTTTGCTGTAAAATA  
TTCATGTAGAAAATGGAAAATCATTGAATTTGAATTTGGCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_214 GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

GAGCGAGGTGGAGTCTCAAAGAATGCGTCGCAAGACGATCTAAAGAAGGCTTATAGAAAGGCCGCTATCAA  
GAACCATCCTGATAAAGTGGCGACCCCGAAAAATTCAGGAGTTAGCACAAAGCCTACGAGGTGCTGAGTGA  
TCCAGAGAAACGTGAGATATATGACCAATATGGCGAGGATGCCCTCAAGGAAGGAATGGGAGGTGGCGGTG  
GCCACGATCCATTTGACATATTCCAGTCTTTCTTTGGTGGAAGCCGTTTGGTGGTGGTGAAGCAGCAGAGG  
CCGAAGGCAGAGAAGGGGAGAGGATGTTATCCATCCCCTCAAGGTCTCGCTGGAAGATCTCTACAACGGTAC  
CTCAAAGAAGCTCTCTCTTTACGTAATGTAATTTGCTCAAAGTGCAAGGGTAAGGGTTCTAAATCTGGTGCTT  
CAATGAAGTGTCTGGCTGTCAAGGTTCTGGTATGAAAGTTTCCATCAGACACCTTGGCCCTCTATGATTGAG  
CAAATGCAGCATCCTTGTAAATGAATGCAAAGGAACCGGTGAGACCATCAATGATAAAGATCGCTGCTCACAAT  
GCAAGGGTGAAAAGGTTGTTTCAGGAGAAGAAAGTTTTGGAAGTTATCGTGGAGAAGGGTATGCAAAATGCA  
CAAAAGATTACATTCCTGGTGAAGCAGATGAAGCGCCTGACACTGTTACTGGGGATATTGTCTTTGTCTAC  
AACAAAAAAGAGCACCCAGGTTTAAGAGAAAGGGTGATGACCTCTTCGTGGAGCATACCTTGTCTCTCGTC  
GAGTCTCTTTGTGGTTTCAATTTATTCTGACTCATTTGGATGGCCGACAGCTACTCATCAAATCACTTCCCGGC  
GAAGTAGTGAAGCCTGACCAATTCAAGGCCATAAACGATGAGGGCATGCCTATGTACCAGAGGCCATTGATG  
AAGGGCAAACCTTACATTCACTTCAGTGTGAGTTCAGACTCCTTGAACCCGAACAATGCAAGGCGCTGG

AGGGCGTTCTTCCTCCCAGGACCTCGGTGCAGCTCTCAGATATGGAGTTGGATGAATGTGAAGAGACCACTCT  
TCACGATGTCAACATTGAAGAGGAGATGCGCAGGAAGCAAGTACAAGAGGCATACGATGAAGATGAGGATA  
TGCACGGCGGAGCACAGAGAGTGCAGTGTGCTCAACAATGATCTCGATTAACTTTGGGGGAGGAGTGGGG  
CTACCGCCGTAACACATTGATTGATGGTTTCGACATACACAAAATTTTCAGAGAACAACAAATGGAGGAAATG  
GATCTCTACCAACAGCAGCACACCACCAGGCAGGAGCAGTCATATCATATCTCATATCCAAATTTTCTCAATAA  
ATAGATGAATTTTATTTTCTAATTCAGTCAGTAGGATTACGAAGTAAGCTTTCTGGATTTTTATGTTTTGTTTT  
TTTTTTTTTTTATTATGTGCTATTTTTCTTCTAGCTTTACCAAGAATTCAAAAGATTATGTATTGGAGTTGCAGAT  
ATAAATAGGATTTGATTGGGAAACAGAAAGATCTTTGGTCTTTTCTGTGAACTGTGGTTTCAAGTGAAAACAT  
CCCAAGATTTATTCTTCTCGGCCTTG

>trans\_c\_215 NM\_127564|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L4 family protein (AT2G20060)  
mRNA, complete cds

TCTCCCCTGTAAAGCTTTGCATATCCCCACTTACAGCAAGTGCAGCGCCGCTTCTTCCGGCCGCGTCTCAGCT  
GTTACTCCGGCCGCACACCGCACTCTCATCTTTGGACGAAATATCCGCCGCCCTCCCTCTCACAATCTCTCGCCC  
TTCGAGCTATCAGAGTTGCTTCTTTTTTCTTCTTTTCTCGGAAACACAGTGGTTCGGAACCTTGCTATTGTTG  
ACATTGCGCCGCGACGTTTCATCTTCAAACTCTCAAGATGACTAGGTAGCTGTCTGATTGTTGCAAAACCACT  
GCACCGATTGTTTTAGCGGTACCCCATTAATATGGCAATCTCAGTTTCGAGAAGGCTGTTGCACTCTATGGGGT  
CCTTATCAACAATCTCAGTTTCGAGAAGGCTGTTGCGTTCTATGGGGTCCTTATCAACATTTGGGCAATGTAAT  
TCTTCATGTACTATGAGTCAGTCATTTTCTAATCCCCATGAAATTTCTGGCTGTGTTAGTGGGAGTAGCTCTACG  
TTTGCAAGCTGTTCTACTCTTTGAAGGCTGGAGCCTTCTTGTCTCCCGAGGGTTTTGCAGCTCAATTTTGACT  
CCTGAATCAAGCAATAATGCATTTCTTCTGAGTTACTGTCTGCTAAGCCGGTGGCATCAGAAGAGCGCAAGA  
TAGGACTTTATCAGGACCTGATGATTCCTGTGACAACTTTCAAAATGAAGACAAAGGCTTCATGCTCTTGGCT  
GGAGATGTTTTTCACGTACCAATCAGGAAGGACATCATTTCATCGGGTTGTTAGATGGCAGCTTGCAAGAGGC  
AGCAGGGAACACATTCGACAAAAACAATTAGTGAGGTTAGTGGAACAGGGAGAAAGCCATGGAAACAAAAA  
GGTACTGGCAGAGCAAGGCATGGAACACTGCGTGGTCCCCAGTTCAGAGGTGGTGCAACTATGCATGGCCCC  
AAACCACGAAGTCATGCTTTTAAGCTTAATAAGAAAGTTCGTCGCTTGGGTTTGATGATCGCTCTTCAGCTCG  
TGTTGCAGAAGGAAAGCTTTTGGTATTTGATAATTTGGATGTCACTACACATAAGACAAAGAACATCGTGAAA  
TATGTCAATACAATGGAGAATACTAAAAAAGTACTACTGGTTGATGGTGGCCCCATAAATGAAAAGCTGAAGT  
TGGCCACGCAAAACCTTCATTATGTCAACGTTTTGCCATCTATTGGTTTGAACGTTTACAGCATTCTTCTACACG  
ATACTCTTGTGATGTCTCGTGATGCTGTAGAAAGAATTGTTACTCGGATGCACACTCCAATCAACCGCTGAAGC  
CGCAGTGCAATTTCTCCTGAATTATATGTTCAACTTCAGTTTTAGCTCAGATCAGCAATAACCTTTATTGATGTTT  
CCCCCTTTTGTGTCAGGAAGGGGTGAAAACCTGTTTATTGTTTCCGTTAAATATTGATCACCTGGAGTTTG  
AAATTTCACTTGATGATCGAAGACATCACATAGTAAGTTTGAAGCTGTAGTTTGTGGTGGTTTGAAAAAAC  
AAAAAAAACCATTTCTACTGCCAGATTGTCAAGTTCTGCAAATCTTCTTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_216 XM\_002889511|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata inosine-uridine preferring  
nucleoside hydrolase family protein, mRNA

ATAGAATTATGATTCGACTTCCATTTCCCTGATTAGAAAAATCGTGGGAACTTGCTTTTTGAAAGTTTGTGTTGA  
TTAGAAAAATCGAGTGTCCAAGTTCCCATCCTCACTACCGAACTATTATTATGCATTACAAATCTCAAATCCCAT  
TTGTTCTTTTCCAATTAATTAAGTTGCCTTTATCGATCGCCAAGATGTATTCCATTGCTTGATCTATTCTCTCTCT  
TTCCATTGCCATTGGGTTCTCCTCGATTTTTCATGTCCCTTTAATTTGTTTTCACATCCATGGCCGATTCGCCCAA  
GAAGATTATCATCGACACCGACCTGGCATCGATGATGCTATGGCGATTTTCTGGCTTTACAATCGCCAGAGT  
TAGAGGTGCTTGGATTAACGACTATTTTTGGGAATGTTTATACTACTCTTCTACAAAAAATGCGTTGCATCTG

TTGGAATTGCTGGTCGGACTGACATCCCAGTGGCTGAAGGATCGCACGTCACAATAACTAATGGTACAAAG  
CTTCGTGTTGCTGATTTTGTTCATGGGAACGATGGACTTGGAAACCAAAATTTTCCACCTCCAATGGGAAGCC  
AATAGACCAAGCAGCGGCTGTTTTCTTGTGAGCAGGCAAATCTTACCCTGGAGAAGTAACACTTGTGGCA  
CTAGGACCACTTACAAATATTGCACTGGCCTTGCACTTAGATTCTGGATTTGCAAAGAAAATTGGAAAGATTA  
TTATTCTTGGCGGCGCTTCTTGTCAATGGAAATGTAAATCCTGCTGCAGAAGCCAATATATTTGGGGATCCA  
GAAGCTGCAGATATGGTATTCATAAGTGGGGCTGACGTGATAGTCGTGGGGCTAAATGTTACACATCAAGTT  
GTCTTGACAGAGGCTGATCGCGACAAATTGGCACGTTCAAGGCGGGAATTCGCCAAGTATCTCTGCCAAATTA  
TGGACATTTATTTCTTATCACAAGGATTACATACGAGATAAAAGGAGTTTACCTCCATGATCCAGCAACTTG  
ATTGCGGCTGTCGATCCCTCACTTTTACATACACCGAAGGAGTAGTTCGAGTCCAAACGACGGGCATCTCAA  
GAGGACTCACTATTTTGTACAACAAGCAAAAAAGGTTTGGTGAAGTGAGTGAATGGTGTGATAAGCCAAGTG  
TGAAGGTGGCAATCACAGTCGATGCTCCGGCTGTTGTTAACTGGTAATGGACCGATTAATCGACTCCTAGAA  
AACACAAGAGTTACCAGTTAGAGATTACATATTCAGGAATGTAAATTTGTATCATTACAGTTTTCACTTTTATT  
GTCAATGCAATAATGAAAGCTCTCACAGTACAAAGGCCGTGCTACTATGAATTAATAAATTGTACGTGCAAG  
TTGGCTGATCAACTTCTTCTCATGTAATTTGATATTGAGTTTTACATTAATCTTTAAGAACTTAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATCAAACCCCCCACCCGG  
GGGGGGGCC

>trans\_c\_217 NM\_124198|Arabidopsis thaliana ACAT2 (ACETOACETYL-COA THIOLASE 2); acetyl-  
CoA C-acetyltransferase/ catalytic (ACAT2) mRNA, complete cds

ATTCAACATTTTTATTACCATTTTTCAATTTTTCTCTTTAACTCTCTCTTCCAATTCATCCATCCAGATCGATCAC  
AGCACCCCTTTTTCTCCACCTTGTAGACAGTGAAGAGATTTTCATTTTGGCATAACCATGGCTCCAGCAGCAGC  
AGCAGCAGAATCGATAAATCCAAGAGATGTTTGCATTGTTGGTGTGACGCGACCAATGGGTGGATTCTT  
GGTACTTTATCATCTTTATCAGCCACCAAGTTGGGATCTATAGCTATTGAAGCTGCACTTAAAAGGGCAAAAGT  
TGATCCTGCACTTGTAAGAAGTCATCTTTGGCAATGTTCTGAGCGCAAATTTGGGCCAGGCTCCTGCCAGA  
CAAGCTGCATTAGGTGCAGGAATACCTAATTCAGTGATCTGTACTACTGTCAACAAAGTTTGTGCATCAGGGA  
TGAAAGCGACAATGCTAGCAGCACAGAGTATCCAGTTAGGCCTTAACGATGTTGTAGTTTTCTGGTGGGATGG  
AAAGCATGTCCAATGTACCAAAGTACCTGGCAGAAGCAAGGAAGGGGTCTCGTCTAGGACATGATTCTCTTGT  
TGATGGAATGCTGAAAGATGGTTTATGGGACGTGTATTCAAATCTGGCATGGGAACTTGTGCAGAGTTATGT  
GCAGAGAAATATCAAATTACAAGGGAGGCCAGGATGACTACGCTGTTCAAGAGCTTTGAGCGTGGTATTGCT  
GCCAAGGATAGCAATGCCTTTGAATGGGAAATTGTTCCGGTTGAAGTTCCGGAGGAAGGGGAAAACCATCG  
ACTATAGTCAATTCGGACGAGGGTCTTGGAAAGTTTGACCCTGCCAAGTTGAGGAAGCGACGACCGAGTTGT  
AAGGATAATGGAGGTACCGTAACGGCAGGCAATGCTTCCAGCATAAGCGATGGTGTGCTGCCGCCATAGTTCTA  
GTGAGCGGGAAGAAGGCACTGGAACCTGGGCTAGAAGTGATTGGAAAAATTAAAGGATATGCTGATGCTGC  
TCATGAGCCAGAATTTTCACAACTGCACCGGCCCTTGCACTTCAAAGGCCATTTCCCATGCTGGCCTAGAAG  
CTTCACAAATTGACTTCTACGAAATAAATGAAGCATTGCTGTTGTGGCTCTTGCCAATCAGAAATTACTTGGA  
ATCTCTCTGATAAAGTGAACGTGCACGGTGGAGCCGTGTCTTGGGGCATCCTCTAGGTTGCAGCGGGGGCTC  
GTATCTTGGTCACACTTTTGGGGGTACTAAAGCAAAAGGGTGGGAAATATGGAGTTGGAGGTGTTTGCAATG  
GTGGAGGTGGTGCATCTGCTCTTGTGTTGGAGCTTGTGTGAAGCCTGTTCAAGTCACAAAGCGTCGATAAGAT  
AAGGTGTTGGATCATATGGGTTGGTAGTAATTGTTATCCTTCTATTTACCCTTTCAAATGATGATAGCTTTAG  
CCTTAGGGATCTGGAAGAGTAGAGCCTTTTGTGACAAAAGCTTAAAGTGAAGCTGAGGCAATCAAATGTG  
TTTGTGTTTTCTCTGTTATCAGAATAATATTGAATTTTATCCATAAAGTTTCTTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_218 AL161593|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 89

TTTACAAATTACAAATACATTATTCTCAGACTTACCTTCGCCGATTCTCTTCTCCCTTTCTAAATTCTCCG  
ATTCCTTCTGCTCCGGCGAGGCTGGGGCTGAGGAAACCGGAGACTTTCTTGAATTCATCTGAATTACAAAC  
AGTTATTGAAGCTTTCTTTCTAGGATTTAATGGCGTTCGCTTCTTAGCAGTGTTATTTGTCAGAACAGAGCC  
TTGTCGTCCTCCGTCGTTTCTTCTCCTGCCCTTTTTCATCATCGCTGCTTCTCACGTCTTCAATCGCAGCGTATTCT  
TCACTGTAATCGTCGTTTCGTTCTTCAAACATCGGTATAAACGCCTCTCCGGGGGCCTCTTCTGTCGTCGCTAAAA  
CTGCTCTTTCAGATGCTCATGTTCAAAGTTACAGCTCCTGTCTGCTCCTGCCCTGGTTGGTCTGATTTTGCTC  
AAAACGTCTCTGGCGAGTGGGATGGATATGGTGCGGATTTTTCTTCTGAAGGAACGCCAATTGAGCTTCCGGA  
ATCCGTTGTACCTGATGCTTATAGAGAATGGGAGGTTAAGTTTTGATTGGCAAACACAATGCCCACTCTT  
GCAGAACCTGAGCAGCCCTCTCTCATGTACAAGACAATAAAGCTACTTCCTACGGTGGGATGTGAAGCCGATG  
CTGCAACCCGTTACAGCATTGATGAGAGAAATATTGGAGATGGAATTGGGGGAAATGGTGAAGTGACTGCCT  
TTGGATATCAACGTAGTGGATGTTATGTAGTTGTCTGGCCAATTGAGGTTGGAGGTTCTTGTAAGTTAATGGA  
GTTGGAGCATTGCCTGGTTAATCCTCAAGATCGTGAATCTCGCGTGAGGGTTGTTGAGGTTGTTGAGTTGAA  
GGTTCACGGCTAGTCTTGCAGAATATCAAAGTTTTCTGTGAGCAGTGGTATGGACCATTAGAAATGGAGAAC  
AATTGGTGGATGTGCCATCAATGACTCAGCGTTTGCTTCTACGGCCGCTTGAAAGCTTCTGAGGTGGTTGG  
GAAATGGCAGGGTCTGTCTGTGTTGCCGCTTTGATGGTTCTCAGATTAATGTTATACAAGAACTTTTGGCTG  
ACAATGTGCAAAAGTCGGTGAGAACTGAATCAGAACTCAAGCTGCTTCCAAGCAACTATGGTGTTCCTTAA  
AGAAAGTAAAGACAGTGGGGATACGTAAGTTGGATGGCTTTTGTCTACGGGCATGCAATTACATC  
AAGATGCATCTTCTCAAGCACATCGAAATTGAAGGAAATATCGATTGTGAATGAGACCCCTGCTTAAGATAGT  
AACCAAGGAATGAAGGCTCAATTGAGCTACAGAGAAGGTCCTGATTACTCCTTCATTAGCCATTACATAAGCT  
CTGAAATAAGTATGCTATATGTGTTTTTATTCTAAATGAAGTATAAATATATAAAAACTCATAGTGTGCAATTTG  
TTTACAAATTTTGTAAACAAAACCTTATAGCATCCAAGAAGTTTTTATATATGACAAAATTGTTCTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_219 AF036960|Glycine max subtilisin-like protease C1 mRNA, complete cds

ATTCGATGATGCCATCGCTGACGGTGTGACATCATCTCTGGCTCTCTTGGAGGATCAGGATTCAGAGATTAC  
TTCAATGACTCTATAGCCATTGGATCTTTCATCCGATGAAGAAGGGAATCTTGACGTCATTGGCTGTTGGAA  
TAACGGCCCAGATTCACAACCATCGTGAAGTCTCGCCGTGGTGTGTCGGTGGCGGCTAGCACCCTGAT  
CGGAAGTTCGAACTAAAGTTGAGCTCGGAGATGGAAGAGAATTCAATGGAGTCAGCGTCAATACATTTGAT  
ATTAAGGGAAAACAAATTCCATTGGTTACGCCGAGATATTCCGAAAGCTCCCTTCGACAGTCTGTATCCAG  
GTTGTGTTTTGAGAACACAATAGATTGAAGTTGGTAAAAGGTAAAATTGTAGTATGCGATTCTTAAGTCTC  
CCGGAGGAGTTGCGGCGGTAAAAGGTGCGGTGGGTATTATAATGCAAGAGATTCTTCTCCTGATGATACCA  
CTCTTTTCCAATTCCTGCTTCTCATCTTGCCCCGAAGCTGGTGCCCTCATTCTCTTATATCAACTCAACCAAT  
AGCATTCCAACAGCAACAATAAAGAAGAGCACAGAAAGAAAACGTAAAAGAGCTCCATCTGTTGCATCCTTTT  
CTTCAAGAGGTCCAAACCAATAACTCCCAACATTCTCAAGCCAGATTTGAGTGGCCAGGAGTTGAAATTCTT  
GCAGCATGGTCTCCAATTCCTCCACCCTCGGGAGCCGAAGAGGATAGCAAAAGGGTCTTTACAATATCATCT  
CAGGAACCTCCATGGCTTGTCGCATGTCACTGCTGCAGCTGCTTATATTAATCATTTACCTACCTGGTCTC  
CTTCCGCCCTTAAATCTGCCCTCATCACTACAGCATTTCGGATGAGTTCTAAACATAATCTGGACAAAGAGTTTG  
GGTATGGTGTGGCCACATAAATCCACTAGGCGCAGTGCATCCTGGATTAATCTACGATGCTTCTGAAATTGA  
CTACGTACATTTTTTGTGTGGTCAAGGTTATACCACCGAGTTGCTCCAACAAGTATCGGAAGACAACAATACTT  
GTTCTTCAAACAATTCCGACACAGTGTTGACCTAACTATCCTTCATTGCTCTCTCCACGAATATCTCAAAAC  
CGATCAATCAAGTCTATAGAAGAACTGTCACCAATGTTGGATCAAAATCTGCAACATATAAAGCTACTATAATT  
AATCCATGGAAGAATCTTGAGATCAAAGTAAATCCTTCTGTTCTTTCGTTCAAGAATTTGGGAGAGGAACAAA  
GTTTTGAAGTTACAATCAAAGGAAAAATTAAGAAAAATATTGAATCAGCTTCTTTGGTTTGGGATGATGGAAA  
ACACAAAGTGAGAAGTCCTATAACAGTGTTTCGATGCTAATATTCACTCCTCCTAATTAAATTTTAATTTATTAT

TGGATAGATTATAAAATTTTACTACAAATGGAAATAATTTTCCATTTCTAAATTATAAATATATGTTGTGTATT  
TTCTTAAATTGTTGGATCAAATCAAAAAAGACATTCTTCTTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_220 NM\_129842|Arabidopsis thaliana PP5.2 (PROTEIN PHOSPHATASE 5.2);  
phosphoprotein phosphatase/ protein binding / protein serine/threonine phosphatase (PP5.2)  
mRNA, complete cds

AGGCGTTCAGTAGCAGATTCCATTGATTTCCATCTGATAGATGTTGAGCCCCAGTATACTGGTGCTAAGATAG  
AAGGAGACGTTGTCACACTTGATTTTGTGAAGAAGATGATTGACGACTTTAAAAATCAGAAAAGCCTGCACAA  
ACGATATGCATTCCAAATGTTTTGCAAGTGAGAGAAATCATGCGTGCCCTTCCATCTCTTGTTGATATTAATAT  
TCCAGAGGGCAGACATTTAACCGTTTGTGGAGATGTGCATGGCCAGTTCTATGATCTCTTAAATATCTTTGAGC  
TTAACGGGCTTCCATCAGACGAAAATCCATACCTCTTAATGGAGACTTTGTGGATAGGGGTTCATTTTCTGTG  
GAGGTCATTCTCACCTTGTTTGCATTCAAGTGCATGTCTCCATCAGCGATGCATTTGTCCAGGGGAAATCATGA  
GAGCAAGAGCATGAATAAGATTTATGGCTTTGAGGGTGAAGTTCGGTCTAAGTTAAACGAAACATTTGTGGA  
ACTATTTGCAGAAGTATTTTGTCTCTTACCTCTTGCTTATGTTCTTAATGAGAAGGTTTTTGTGCTCACGGAGG  
TCTTTTGTAGTGTCGATGGGGTAAACTCTCTGATATTAGAGCGATAGATCGGTTTTGCGAACCTCCTGAAGAA  
GGATTGATGTGCGAAATCCTGTGGAGTGATCCACAACCCAATCCTGGAAGAGGACCTAGTAAACGAGGTGTA  
GGTCTTGCCTTTGGTGCAGATGTCACAAAAGATTTTTGCAGGAGAATAACTTGATTAAATTGTGCGATCCCA  
TGAAGTCAAGGATGAAGGGTATGAGATCGAGCATGATGGTAACTCATTACAGTATTTTCTGCTCCCAATTAT  
TGTGACCAGATGGGAAATAAAGGAGCTTTTATCCCTTTGAAGCACCAGATATGAAGCCCAACATTGTAACCTT  
CTCAGCGGTGCCACATCCTGATGTGAACCAATGGCATATGCCAACAATTCCTTCGGATGTTCCAATAGCTGC  
ACAAAAGATATCCATGTTGAACCAGTTTCAGCTTGCTTAACATGATGAAGTTCGATTTGGCTTCATGTTTTGCC  
ATAATGAAGCTTCCGTTGTAATTGTTTGAAGGATGGTGCTTCTTCCAACGGTTTCAAACAGTTTAGATGGATAT  
TATCCGCAAGTGTTCCAAATCAAGTATTGATGCATAGTTTTCTCAGTTTACATTTGTTTGATACGCCACTCCATA  
TTGTTTACAAAGGACGAAAAGAAAACCTTTTTTACCATGAACTACCCACCCTATGTTCTTCACTGTCCATTTTTT  
CCTCAGTTGGAGCAACATTCACAATCCCCAAGGATTTGAACTTTCCTTATTGTTGGAGCAACAAAATTCTATTT  
GTACTTAATGGTGATATGGGCTTCTTTTTGCCGAGCCTGAAATCATGTCAAGTAGGTTGAAAAA  
TTGGACAGAATTTATCAAGAAAACAGAGAGATTCTCTTTCATCTGGTTCGATTCAATCCTTTCAATTTCAATA  
TCAGAACCCAAAATTTCAAATAAGAAAACCTGGCTGTGGCAATGAAGCCATTGGCGTGAAGCAGAGAGAGGTG  
GAGCTG

>trans\_c\_221 BT023725|Arabidopsis thaliana At3g46700 mRNA, complete cds

CTCGCTGTCAACGATAATTGCAAGGCTAGCTTGAAGGAAGCCATGGCCACTGTCCTTAGAGACGTCGTGTGTG  
TAATACACGATGAGATCATGCACTTTTGTGGAGAGGTGGCTAGCGGTTTTGGGGTTCGGAGTTTGGTGCTTCG  
AACAAACAGCATATCGACGTGTATTGCTCGGTGGTCTGTTTTGCAACTTCATGCGGAGGGTCGACTTCCTCTAC  
TCGATCTCACCATTCTTCAGCTGTTATTTGGAACACAATCCCATTTCTTGAACCATCTGAATTAACCCAAATCA  
AAACCAAAATATACAACCAATCCCTATTTTTGCAATTGGTCCAATCCACAAGATTTACCAACCTCATCCTCTT  
CAAGTTTGCTCAATGAAGACTCCGCTTGCCTCTCATGGCTTCATAAAAAACCTTCCAACCTCAGTCATCTATGTTG  
GCTTGGGCAGTGTTGCCCGCTTAACAAACCATGAACTCCAAGAGATGGCTTGGGGGTTGGTTAATAGCAATCA  
ACCATCTTGTGGGTCTGTCGCCCTGGCTCGGTCGAGGCTCGGATGGGATTGGATTCACTTCTGGAAGAATTT  
CAAAAGAAGGCTGGAGATAGAGGGTGATTGTGGAATGGGCTCCACAAAAGGAAGTGTTGGCTCATAGCGC  
CATAGGTGGATTTTTGAGCCATTGCGGTTGGAATTCTACTCTTGAGAGTTTGAGTGAGGGTGTTCCAATGTTAT  
GTAGGCCTTATTCAGGAGATCAAAGAGGAAATCAAGGTATATCAGTTGTGTTTGGAGAGTGAGATTGACTTT  
GGAAGGTCATGAGTTGAATAGAAATGAATTGGAAAAGGGTATTAGAAAATTGATGGTGGAAGAAGAAGGGA

AGAAAATGAGAGAAAAGCAGTGGATTTCAAGAGAAAAATTGAAGATTGTTTAAGGGAAAATGGATCATGTG  
CTCGTAACTTGAAGGAGCTTGTGATTTATTACGTCTTTTAGATCAACCTCTCTCTCGATGAACATCTATTCT  
AACCAAATATTGTTTATAACGGCTATTAATAGCTTCAAATGCAAGTATTATTTTGAACAAAGGCATGGAATTC  
CATAAGTGCAACTCCATGGCTTAACATAAGAGGTTAGTGCACCTAAAGGAAGGACCTCAGTGGAAAGGTTCC  
TTTGTTACAGAACCCACGTCCTCAAACCTTTGATTGCGAATGGAATCTATATTTTCTCCATGAACGAAGACAA  
ATTAGATAGAGAATTTATGATATGAAAATAAGTCGGAATGACAAGACTTGAAGCATTATTAGATGTTTACTTC  
CAAGCTAATTAAGTTTTCTAGCACTCTTCACCATAGCTTTGTCACTGTCATTTATTTTCTTATAACAGTTCTCTCT  
TAATTATTTGAGAAGATTAGTCCTTAAGATTAAGGATGACTTTGTAATGTAGTTCTTTATTTATTTTTCGAGCTC  
TTTCGAATCACTCATATTTCTCCCCGAAAGATATTAACAAAAACATTTTCACGTGTCACCTTGATNAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_222 AB087849|*Pisum sativum* PsDof4 mRNA for DNA binding with one finger 4 protein,  
complete cds

AGAGAGAGAGAGATCCAAAAGAAAATAATGCTGGGAACTGTGAGAAAATGGTTCTCATTTCTTCATCTCCT  
AATCAATGGCCTCAAATGATGAAGAATAATAATCATCCAACAAGTTTAGATCATGATCATCAAAGGGTTGA  
ATCTTATAGGCTCATCTTCTGGAATAATAATGGACAACAACAACAACAAGATCAAAGACTCAACAAAA  
ACAACAACAACAACATCAACAAGAACCACTTAGATGTCCTCGTTGTGATTCATCGAACACCAAATTTTGTTACT  
ACAACAACCTACAGCTTGTCTCAGCCTCGCCACTTTTGCAAGGCTTGTAACGTTATTGGACTCGTGGTGGCACC  
TTAAGGAACGTCCCCGTTGGTGGCGGTTGCCGAAAAACAAGCGTCTCAAAGACCTACTATTGCCTCTACCA  
CCACTACTGTTACTCATTCGTCATCTCCCCGGCCCCGACTGCCCGGATTGCACTTCTCGTCTTCGACTTCTT  
GTAACACTAACCCACTTCATAATATCTTTTATGGCTCCACTTCTGATCTCAACCTTCCATTTTCCGGGTACGATCA  
TCATCACCACAATCATCTTCAGACTCATTTAAATGCTCTTGGGTTAGGGTTTTCTTCTCCTAATATTGATCATAG  
GGACTTTAATCTTAATGGGTTCAATTCAAGTTCCTTTCAGGTTATTCTAGTTTATTTGGTAGTAATAACAA  
TAACCCATCTTCTAATTCAACCTCTATTTCTTCGTTACTTGCTTCTAAGTTTGATCCAAATCTTTTCGGAAATTTA  
GCTTCTTCTCAACCGTTTGATGATCATGTGATGGGATCCAACGGTGGAGATCAACTAGGGTTGAATGTCAAAT  
ATGTGAAATTGGAAGATGGGATGAAGAGGTTAAATTGGGAGGATGATGATCATCAACAACAAAATCATCAGA  
CAGATAATGAAATTGTTGCTCAATCTAATGATGATCATCACAATTCTTTTTGCTAATAATTGGACCTCTCAAA  
ATTGGCATCATGATCCTCCAAATCTTGCTTCTTCTATCACTTCTCCCTCATCTAGGGAAAAAGAAATCTAATTT  
AAAGAGAAAAAAAACCCCACTTTCATCTCTTCATTAGATTCTAGAATTTCTTCTTTTCTCTCTACTTTGTTGT  
GAAGTTGAATGGGTCTCATTTGGTTTTTCAAAAAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGGAGCAAACCTTTGGGGA  
TCGGAGTGTTTCATGTCAGCAGCAAGAAGAAGGAACCTCAAATTGAAAAGTCTGTTAATTTTAAATTTTCATTTT  
CATTTCCCCTCTGGGTTTTGCGCTGAGAGGAACCTCGGATCCCTTTTAGCTCAACTGACATATACAATATGTAC  
TACGAATCTACAGTGCGAAATCTTCTCATTCCAATCATCTCCACGCAAGAGATTGAGTTGAAGCTTAGCTCTTT  
TCCAACCTTTCAGATTTGGAGGGTAGAAGTTGTCAATTTCTTTTCTTTAACTTCTCTTTTATTTAATTTAGTAA  
GTTGGGTTTTTTTAGTGCCATTGTAAATATATGGGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_223 NM\_100534|*Arabidopsis thaliana* enoyl-CoA hydratase/isomerase family protein  
(AT1G06550) mRNA, complete cds

TGCTGATCATCTTTCATTTCACTCCCCTGCTCAGATTGAAAACCCGTTGGGCTTGGATTTTTCGGTTCTTTCGAT  
CTGCTGCTCTCTTTTGATTGCTCGTTTTGCTAGATTCAATCCAGAATTCGACTTCGGAATGGCGCTGGAAGTT  
GTCAAACCAGAGGAAGAGGTTGTTCTGGGAGAAGAAGTTGGAATGTTAGGTTGATTACGCTTAACCGGCCA  
AGGCAATTGAATGTCATCTCATCTAAAGTGGTTTCTGCTGGCTGGATACCTGGAGAAATGGGAAAAAGACG  
ATGAAGGGAACTTATAATCTTTAAGGGAGCTGGTCGAGCCTTTCTGCTGGTGGAGACTTGAGGATGTTCTA

TGAAGGCAGGAATAAAACAGAGGATTCATGCCTTGAAGTTGTCTACCGAATGTATTGGCTCTGCTATCATGTT  
CACACGTATAAGAAAATGCACGTTGCACTTGTACACGGAATTGCAATGGGAGGAGGTGCATCATTTATGGTG  
CCAATGAAATTTTCAGTCGTCACAGAGAAAACATTTTTGCCACTCCAGAAGCAAGTATTGGATTTTCACTGA  
CTGTGGTTTCTCGTATATGTTTTCTCGCCTCCGGGATACTTGGGTGAATTCTTGGCCTTGACCGGGTCCAGATT  
GAACGGCAAAGAATTGGTTGCAGTTGGATTTGCAACACATTTGTCCCTTCTGATAAATTGGATGAAGTAGAG  
ACACGTTTGATTAGTTGAACTCCCATGATGAAAATTCAGTTGATCTGCAATTGAAGATTTTCTTTAGAAGTT  
CAGCTGGATGAAGATAGTGTCTTGAAAAGGCAATCTGTAATTGACAAGTGCTTTTCAAAGGAAACTGTTGAAG  
AGATAATAACCTCTTTGAAGCCGAGGCAAGCGTTGAAGGAAATGGTTGGATAATTCCCGTCTGAAGGGAC  
TAAAGAGATCATCCCCTACAGGACTGAAAATAACTCTAAAATCGATACGCAAAGGTCGATTACTAACACTGCA  
AGAATGTTTGAAGAAGGAATTCAGGCTGACAATGAACATTCTACGCACCCTTATCTCTGGAGATGTTTATGAG  
GGTATTAGAGCTCTCACCATCGACAAAGACAATGCTCCTAAGTGGGACCCACCATCTCTTGACAAGGTTGACG  
ACGATAAGGTAAACGAAGTATTTAGCCTTATGGGGAAGATTTGGAAGTCCAAGTACCCATAGACGACGAAC  
AAAGGTGGAGTGGTAAATATGAAGATTCCATTTATGCAACTTTGAAAATGGAGTGAGTAAGACAATTGCAAT  
ACAAAGTTTCTCATGTTCTGCAGTAGCTGTTATGGTTGGAATAATCTTCTTTATCTTCTTTATCAACTGCCTCAT  
TATGCCTATCACAAGTATATCCTTTATAATCTAATACATATTTACATGCAAAGCAGTGATTTACAAATTTTGATG  
TATTAATGTTATCTTGTTTACCGAAAATTAATTTGTGAAGAGGGCGTAGAAGGTAATTGTAAGAGGAGAGTC  
GTAACCTGTAGTAACGACTTGTTCAACAACAAATCTGCATTGATCAAATTAATGTTAAACCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_224 NM\_001065192|Oryza sativa Japonica Group Os06g0730600 (Os06g0730600)  
mRNA, complete cds

AGTGGTATGAAAATGGAAAGTTACCGAAGAAAAAATACATTCACGGATTTTATTTCTTCTGCTGAATACTT  
GATCGAGAATAAATACTGTTCAAAGGAAAAACTATGCATTAATGGAAGAAGTGCTGGTGGTTTGCTTATTGGT  
GCTGTTATAAATATTAGGCCTGATTTGTTCAAAGCTGCAGTTGCTGGGGTACCTTTTGTAGATGTTCTAACGAC  
CATGCTTGATCCCACAATTCCCCTTACAACCTCGGAGTGGGAGGAATGGGGTGACCCTAGGAAGGAGGAATT  
CTACTTTTACATGAAATCATATTCTCCGTTGACAATGTTAAGGCTCAAATATCCTGACATACTTGTTACTGC  
CGGCTTAAACGATCCACGTGTCTTATATTGAGAACCGGCTAAGTTTGTGGCAAAATTAAGGGCTACGAAGACT  
GATAATAATCTTCTGCTTTTCAAATGTGAACCTGGTCTGGACATTTTCAAATCAGGAAGATTTGAGAAGCT  
TCAAGAGGATGCATTCACATACGCTTTTATACTGAAGTCTCTTAACATGATTCCAGCACTCGGAAATTGAGCAG  
AAAAAGCTGCTCCCTTGATGGTACACTTCTTTCATTCTTCTATTGACCTTTTATGTAAGAAATCTTCTTTACTAGA  
AAAAGGGTCATATTTGACTGTTCTTTCATTACCTTACCATTAGATAACCTATGCTATTTTTATAAGATAACTAGT  
TAGCATTTCATGTGCTTTTGCACCACCATTTTAGAAATTCAAACAAGTTTATTATTCTCTCAATAACACAAGGAT  
GAGGGACCTTTTCCCTTCTTCTAACCACCCTAGCTGTATTTTCATGGTTTCTTACAACCTCAAAGTTCTAACCAT  
TTGTATTATAATTTTATACTTTCCCACTCCTGCGTACCTATTTGAGAATGTAACCAAAGTGTGATATTGGTTAGG  
AAATGGAAAGTCCATGCTATATGAGTAAGGATGTACAATTATATATCGGTATTGGTATTAGGTCTTGGGTAAA  
ACCAAAAACTATGGGAAACATTTTCTATACTATGGTAGTAAGAAAAATTTCTATACTACTACACTAGCATACT  
ACCTCTAGTTATTTTGATCACATTAACATACTTTAAAAATAAAATGAAATCTACTGTGTTACACAAATATTTAT  
GAAGACAAATTTATAGTATAAACAATTCTCGTAGTACTGAAAAAATTGCCGGCTATGAGAAGACCATGTTTGT  
TTTATGGGAAGTCGATTTGGGTTTTGACCCGGATAAAAGTTATATACGTTTGTTTCATGGACTTCGAAATATG  
AACATGAATGTAAGTCTAGAAAGCGTTCGCACGTGAGCAAGAAAGTTTAAAGTAGGCCTGAGATTCAACGGTTT  
TGACTCAAATAAAATATATTACATCTTATATTCTTATATGTGTGTGTTATGCAATTACCTTAAAAATATTTTACAT  
TTTTCCACCATTGCTAAAAGATAATTGTACATTTGAATTGATGATTGAATGAAAAATATAGGGTGAGATATATG  
TGTTGAATACAAGTTTAGAGCCCAATTGGTAAAGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_225 EU368699|Oryza sativa Indica Group SKIP interacting protein 9 (SIP9) mRNA,  
complete cds

ATACATCGGCTCACGGTAGAACGGCTTTGAGAGGTATATGCTTCGATCCTCCGATCTTCAATGGTGAAAAGCT  
TACAGGGCGGAGGGCAAACCTCCCTGCTGACGTGACGCAGGTCATTGATCAGTTGGAGCGCCACTGCTTGG  
CTCCCGATGGATCTCTCGTCTCAAACCTGCCACTACGATCTACAGCTCGTACTCCATTTACTTCTCTTTCTCTC  
TTTCTTTCCACTCGATTTCTTTGCTTTATCGATCGCTGGGGAAATGTAGGTGGAATTGAGCGTTATGTTTGATTT  
TTGTTCCGGAGTGCTTTGTAAATTGACCGTATTGTGTAATGGACTGAAGCTCTGAATTTCACTAATTATTTTGA  
AATTTGCAGGCCAGAGAAGAAATGTCGAGGGAAAGGTTGCGTTATTTGGAAGCCATGGCAATCTATTGTGAA  
GCAATTGCAATGGTGGAAGAGTACCAGCAGGCTGTTTCAATGGCGAACCTTGGAGGAGTTCGAGATGTTTCAG  
GCGCTTTATCCACAGCTAGGCTTGAAGAATTCGCCTCAGGTTTATGAGACTCTTGAACACCGAATGGTAGTGG  
CAGAAGCATCTCAAAGATTGAGGCTTCTCTTATATCAAAGGACGGTGAAATCCATGAGGAAGAGATCGAGA  
AGCTATCTCGAAGTTCCCTTGATAGTACAAGCACTAGTGTTACAATAAGCTCAAGCACTAATTCAACAAATTAT  
GCAAGTGCTAGCAGTACTGGAAGCATTGTGAACAATAGTCTTTCAGTAAGCTCAACTGATACTGCAGAACCTG  
GAGTAGGTGGTGTTCCTTCTTGAATTACACCTGCATTTTATGGCAAACACAGCTCCATCAAACG  
CCTTCCACGGATATGGCCGAATATCAAATTGCTCTTCTCGTGAGATAGATTCTCGTCTGAAGACTAAATGTGA  
TAAAGTAGCTGATGCTTTTATTGTGGATGATATTGAGTCATCATCTGGGCATCATAGCTCTAGTGCTCGGCTTC  
CAGAGAGGGTTAAGTTGATCATCGAGGAAATTGAAAGGGAAGAAGCAGCTTTACGGCAAGAGCTTTACTCG  
GCAGACAGAAAGTTTCGCTGAATATTACAATGTCCTTGAGCAGATATTGGGAGTACTAATAAAGCTTGTTAAAG  
ATTTGAAGTTGCAGCATCAACATAAATATGACGATCTCCAGAAAACATGGCTGTGCAAAGGTGTGAGACCAT  
GAATGCAAACTGAGTGTATTAGAGCACGTTCTCTTGCTAGAACTTACACTCAGGAATCTATACCAGCCCTTC  
ATAAAATAAGAAAATATCTTGTTGAAGCTACGGAGGAAGCTTCTATTTCTTACAACAAAGCAGTTACTCGTCTC  
CGTGAGTATCAAGGTGTAGACCCTCATTTTCGACAATATTGCAAGGCAGTACCACGATATTGTGATGAACTTG  
AGAATATGCAATGGACAATACATCAAGTTGAGATGGACTTGAAACGCTTGCCAGATCAATCAAGTACCTGAAA  
CATATTACATAGAATTTTGATTCTTTTGTGTTGATTGCTTCTTTTGTGTTGATTATGAATTATGATTTTGCTTGA  
AGGTAATTTT

>trans\_c\_226 NM\_128188|Arabidopsis thaliana chalcone isomerase (AT2G26310) mRNA,  
complete cds

ATAGCTGGCGCACTGTTACTATGGTGCTTGACTACATCAACTGCAAATGTGACTCGGGAGATTGCAGATGATT  
TACATGGTTCAAATTCTAGAAGCTTTAAAACTTCAGTGAAGTTTGGAGCATCCGTTCTAGTAGACTTGGGTCT  
GGAGGATTTCACTTAGCTTTAGTTTGGATAAAAAACATTCCAACCCGATTTTCTTGGCAAGCTTGGAAGTTT  
TGCATCGAAACTCCTGGGTAAAGAGGCTGGAAAACAGCAATTGCATCCTTCTCCGTAGCGGCCGCTTA  
GTTTCTCCACTTAACAACCCAGCCAGCAGATCATCAGATATTATGCCTGTTCCATTGGAGAACGGCGAACTGCA  
AGTCCATGGATGCATGGATCAGAAACCTGTGAAGTTGCATATAGAGCAGCACATGCTGGCTTAATGTTTCCT  
GATGTGAACTGGGCAAGGCATGCAATTGAACCCATAACTGGCATTGAATTTCCCATGATGCTAGATAACATTT  
TGGCTGCCGAAAATAATTCCAGCTTGAGTTCAGAGGTTCTTGTTGCAACTGGATCCAGAATAATGAAAATAGT  
CAAAATTAATCCCTGAAGGTCTATGCTTTTGGCTTTTATGTTTCATCCAAAATCTGTCTGTGAGAAGCTTGGTCC  
AAAATATGCTTCTAGTCCAGCAGATGAATTAATGAGCGGCGTGATTTTATGAGGACCTTCTGAGGGAGGAT  
ATTAATATGACTGTCAGACTTGTGATTAATTACAACGGGATGAAAATCAATACTGTAAGAGATGCTTTTGAGA  
AATCACTTAGAGCACGATTGCTGAAGACAAATCCAGAACTGATTACCATTGTGTGAGGACATTTGGTTCTCTC  
TTCATAAAGATATCCATTACCTGTGGGAACAACAATTGATTTCCGACAGACAGCTGATGGACAATAATCAC  
AGAAATGGGAGGCACTCTTATTGGGGCAGTTCGTAGCAAGGAATTGTGTAGAGCATTCTTGATATGTACCTC  
GGAGATGTTCCAGTGTGCGAGGAAACAAAAAAGAGATTGGTAAAAATGTGGCAGGTCTTATTGGTAGATGC  
TAACATCTTTGTCCCAAAGTTCCAGCTTCAATTGTCCCCATTTTATACGGACAATTTGGTTGCTCTGACATGAGG

AACTTAATGCAGCTGGCTGTAGCATTAACCAACCATCACTTGGTTTTAAAGCAAAAGCTGGCAATAGCGAT  
TGAGATCCAGTACATATTTCCGAAGGAAACACAGGTGCCACACCAAATTATCATTGAATTTTTTTACAAC TAG  
CGCATATGCATCAAATTGATCGGCATTCACTTTATTCCCATTTGCTATCTGTTTTCAATTTCTCTCAGCCTT  
TGTTCCAAGTAACTGAATAAGTAGTTGTTGGTTATGGTATATCTATGAGAGTGGGGTGGGAGTTACACAAAG  
TTAGTCTTTTCTCTTTTAAATTTAGAACAATTTTAGATGGTTAGCTAAGAAGACTTAGTTAGGAATTGTACT  
CGGGTTTATGAATTGTGTTAATAATAAAGTTTTCACTGTCTTTTCTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_227 AF297712|Prunus avium translation elongation factor 1-gamma mRNA, complete  
cds

TCTCGGAAGAACGCTCGCCCTCTCACAGATCTGATTTTTGAGCCAAACGTTTTTCCGCGAAGCGATGGCTCTC  
GTCTTGCACTCTTGGAAGACTAACAAAAATGCTTCAAGGCCTTAATAGCTGCGGAGTACAATGGTGTCAAGG  
TTGATCTTTCCCGAGATTTTACAATGGGCGTGACCAACAAGAGTCTGAATATCTGAAAATGAATCCTATTGGG  
AAGGTTCTGTTCTGGAAACACCCGATGGTGCTATCTTTGAGAGCAATGCTATAGCTCGCTATGTTGCTCGCTT  
GAAGGACAGCGGTTTATTTGGCTCTTCTCCATAGATTGTGGACATGTTGAACAATGGATTGATTTTTCCACAT  
TTGAAATTGATAATAATTTGTCAGTTATTTGAGGCCTAGATTCGGATATGCTGTTTACCATCCGGGTGTAGAG  
GAAACCGCTAATGCTGCCCTAAAGCGATCTTTCCGTGCTTTGAACTCCTACCTGCTTCAAACACATTCCTCGTT  
GGACACTCCGTGACACTAGCTGATATCATTCTGACATGCAATCTCTATTTGGGATTCACCTATTTGTTGACTAAA  
AGCTTTACATCTGAGTTCCCCACGTTGAGAGGTACTTCTGGACATTGGTCAATCAACCAAATTTCAAAAAGAT  
TTACAACAGAGTAAAGCAGACTGATGCTGTCCCACAGTGAAAACACCTGAAGAGGCTGCAGCAGCTGCCAA  
AGCAAAGGCTGAGCCTAAGAAACAAGAAGAGAAGCCTGCAGAACCTGCTCAGGAGGAGGCACCGAAGCCCA  
AGGCCAAAAATCCCCTTGACTTGCTTCCTCCTAGTTCGATGATTTTGGATGAGTGGAACGCTCTCTACTCGAAC  
ACTAAGACTAACTTCCGTGAGATTGCAATCAAAGGATTCTGGGACATGTATGACCCAGAAGGGTACTCCCTTT  
GGTCTGTGACTACAAATACAACGATGAGAATACCGTTTCATTTGTGACTTTGAACAAAGTTGGTGGATTCTC  
CAGAGAATGGATATTGCTCGGAAGTATGCCTTTGGAAAGATGCTTGATCGGATCAGAGGCACCATAACAAG  
GTGAAGGGACTATGGCTTTCCGTGGAAAAGAAATCCCACAATTTGTGCTCGACGAGTGTTACGACATGGAGT  
TGTACGAGTGGAAGAAGGTGGATATCTCGGATGAAGCCAGAAGGAGAGGGTGAACCAAATGATCGAAGAC  
CAGGAACCATTTGAGGGTGAAGCTCTTTGGATGCCAAATGCTTCAAGTGAGAAATAGCGAGAGATTTGGTTT  
GTTGTTGGGACCTTAGAGAACTGACTTTGAGAGTAAGGTTTCTGTGCTTTTTTTTTTTATTTTTATTTTTGTGG  
GTCGATTTTGTCTGCTGATTTTGAAGTAGTAGATTTGTCTCCTTTATTTATTTCCCGAGGCCAACTGAAA  
CATACTCTTTGCTTCTATTTAAATTTTCGAGCTTTCGTTAGCTTATTAAGTGATAATTTATGATTTATGATGCGT  
AATTTTTATTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_228 NM\_113314|Arabidopsis thaliana glutamine-fructose-6-phosphate transaminase  
(isomerizing)/ sugar binding / transaminase (AT3G24090) mRNA, complete cds

ATATCAAGGATGGAGCTATATCTATATTGAAGTTTGACAAGGAAAAGGGGAAAAGTGGTGGAGCTCTTTCTA  
GACCTGCATCAGTGCAACGTGCACTATCTGTCCTAGAAATGGAGGTTGAGCAAATAAATAAGGAAAATTATG  
AGCACTACATGCAGAAAGAAATTCACGAACAGCCTGAATCTTTAACGACTACAATGAGGGGTAGGCTAATAC  
GTCGAGCTTCTTCAAAGAGAAAAGTCTTCTTGGGTGGACTAAAAGATCGCCTTAAACAATAAGGCGAAG  
TAGGCGTATTGTTTTGTTGGTTGTGGTACAAGCTATAATGCTGCTTTAGCTGCCAGGCCTATCCTGAAGAAC  
TATCCGGTGTTCTGTTACAATGGAAATTGCTAGTGATCTCTGGATCGCCAAGGGCCAATATATAGAGAAGA  
TACGGCAGTTTTTGTGAGTCAATCTGGTGAACTGCAGATACTTTGCATGCCTTGAATATGCTTTAGAAAACG  
GAGCATTGTGTGTAGGCATAACAAATACAGTTGGTAGTGCAATAGCCAGGAATACACATTGTGGAATTCATAT

AAATGCGGGTGCTGAGATTGGTGTGCAAGTACAAAAGCATACACAAGCCAAATAGTTGTGATGGCCATGAT  
GGCTCTTGCAAGTTGGTGGTGATTCAATCTCCCATCAAAGAAGAAGAGAGGCTATAATAGATGGCTTATTTGAA  
TTGCCAAACAAAGTGAGGGAAGTGCTGAAACTTGATCGGGAAATGAAGGATCTTGCCGAACATTGATTGCT  
GAGCAGTCACTTCTTGCTTTGGGAGAGGATACAACATATGCTACACGCTTGAAGGTGCTTTGAAAGTAAAGG  
AAGTGGCACTAATGCACAGTGAAGGATTGCTTGCCGGGGAAATGAAACACGGTCCTTTAGCATTGGTCGACG  
AAAATCTCCCGATCGTTGTTATTGCTACACGTGATGCTTGCTTCAGCAAGCAGCAGTCTGTCATCCAACAACCTT  
CATGCTCGCAAAGGTCGCCTCATAGTCATGTGTTCCAAAGGGGACGCTCAAAGCGTGTGCCCCGGAGATTCTT  
GTAGAGTAATAGAAGTTCCCCAAGTTGAGGATTGCCTTCAACCCGTCATTAATATTATTCCATTACAGTTATTG  
GCATATCATCTCACTGTTCTTAGGGGTTACAATTGTGATCAGCCTAGGAATCTTGCCAAGAGTGTGACAACTGA  
GTAGTGAACCTGCCACCATTGACAATATCTTCTTCTTCTTCACTCTTAACACCTCATGAGGATTGCACTTCTTTG  
CGCTACACTCGGGATCTTCTGTAGATTGCGACTTCTGATCTTCTGATGATTGATTTAACTAGGGTTGGGAG  
CCTTGTCTTTGTACATTAGCAGATAATAGTTGCTGCTGGGCTTTCACAATTCTATTCACTTGAAGATAATGTG  
TTGGGTTACGATAATTATGATATGTTATCTATGCTTCTTTTTATTTGACTTATCTTCAACTGTTGTGAATACCTC  
ATCTTAATCTCAACTCTCAAGTTTAGATGGAATATAATAAAGGGGCGAGAACCTCATCTCAATCACAACAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_229 NM\_001069596|Oryza sativa Japonica Group Os09g0381600 (Os09g0381600)  
mRNA, complete cds

GGAAGTGTGAGATATATGAATGGATGGCCTGCACTTCTAAAACTATGTAGACCCATTTGGCGAACAAAGGAA  
GCTGTATAGAAAAGAGACTCCTTTTTTCTTTTCTTCTCTTATCTAAATCATCTTCTTCTCTGCTTTTCATCA  
TCTTTCTTTCAATCTATCAACAAAGAATTCAGATGGGGAATTGTCAAGCGTTGATGCGGCGGCTTTGGTTAT  
ACAGCACCCAAGTGGCCGGATTGAGAGGTTGTATTGGCCGGTGGTGGCTAGTGAAGTTATGAGGACTAATCC  
GGGTCATTATGTTTCTTATAATTCCATTGCCTCAATCTGAGGATGACAATAGCGAGCCGAAAACGGTGCGTT  
TACTCGTGTCAAGCTTCTCCGGCCAAATGACACTCTTGCTCTTGACATGCCTATCGCCTTGTTACCACTCAAG  
AGGTTATGAAGGTGTTGCGGGCTAAAAAGTATGCAAATCTAAGAAGCCTTTGCCGGAATCGGAGGAGAAG  
CCGCAGACGGAGATGGAGAAGCGGTCTGCTGGTGATGAAGAAGAAGATACTGAAAAGAATCAGCAGGTAGT  
CAAACATGAAAGACATCGAATTAGAACGCCTGTAGCAAACACAACCTGCGGCGAGGTCAAGGGCTTGAGACC  
ATCGTTGCAAAGCATCTCCGAAGCTGCCAGCTGATTTATGTTTCTCATACTTTTTCTACATCATAACAAAGCAA  
GAGTGGTTCATACGACAGAATAGAGGAGTTTGATTAAAGATAGCTCTCATTGATGGCAGAGAAACATCTCAAT  
TTATTGAAAGTTAGAAGATTCAGAGAGAGCTTGAAAATGAGCATCCAAGTTTCCAATTTCAAGTGAAAACCAC  
AGCCCCAGAATGGTTCATGTATTGCAATTGCAACTAATAAGCCATTTGTATAGCAACAACAAAGATATCAATG  
AAATTGACACTGTGTTGGAGTATCTTTGTGATGATACACACATTTTTCTCCATCATCTTCAACACAAGAGCAA  
AGATAACCGAATCTAGATAAAAATATACAAGTATCTTCACAAATGAAACAACAAAAAGAGAATCATTTGAACC  
CTCCTTTTGAGTTCCAAATGTTCCAATCGTTATCCAGATAGTTTTGAGCCCATAGGAGTGAAGTTCTTGACGCC  
AAAGGCGCTCCGGGTAATTTCTCTCATTGAGAGCAATAAACATATTAGTGAAAGGCTCTACTATTAATGTCCC  
AGGACCTCCGTAATCCACATGCAAATATTCACCAAATATCTTCGAGCAAACATCCGCAACTGAATCGAAGTCGT  
TCCCGAATGTCTCGCGATCTTCGCTAGTTTCTTCGATAACTGCTCCTTAAATTTCTGGGTTGCAACTTCTGCAA  
ATTCCGGTATTGGTTCTGGGTAAACGTAGCTAGCCGTGATGGGAGTGGCCCTGTAAATTACGGACGAAGTTA  
AAGTACAATTAACCAAAGGCTTTACGAAAGAAGGGAAAAGGGAAAATGTTGGATAGTGAAGACCGTTGAAG  
CTTGTTATCTTGGCGGGAGAAACCTCAATGGCCGTGACCAGAGCGCAACCGTACGGCGCCATTGGATGGGGT  
TATCCCGCTTT

>trans\_c\_230 BT002488|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2A 65 kDa regulatory subunit  
(At3g25800) mRNA, complete cds

ATTGTGTGAAGCTGTAGGACCTGAACCAACTAGGACGGATTTGGTACCTGCTTATGTGCGCTTGCTTCGAGAC  
AATGAAGCTGAAGTTCGTATTGCAGCTGCTGGCAAAGTGACCAAGTTTTGCCGGATTTTAAGTCCAGAACTGG  
CAATTCAGCACATTCTCCCTGCGTGAAGGAATTGTCATCAGATTCTCTCAGCATGTCCGTTAGCTTTAGCCT  
CAGTTATCATGGGAATGGCTCCTGTGTTGGGAAAGGACGCTACCATTGAACAGCTGCTCCCAATATTCCTTTCT  
CTGCTTAAGGATGAATTCCTGATGTGCGCCTTAACATCATTAGCAAGCTTGATCAAGTAAATCAGGTTATAGG  
AATTGATCTCTTGTCTCAATCGCTGTTACCTGCCATAGTTGAACTTGCTGAGGATAGGCATTGGAGGGTTAGGT  
TAGCAATCATAGAGTATATTCCTTTACTGGCAAGTCAGCTGGGTGTAGGGTTTTTTGATGATAAGCTCGGCGC  
TCTTTCATGCAGTGGTTACAGGATAAGGTTTACTCCATCCGTGATGCAGCTGCTAATAATTTGAAGCGACTTG  
CTGAAGAGTTTGGTCCTGAGTGGGCAATGCAGCATATTGTCCACAGGTTCTTGACATGATTAACAACCCACA  
TTATTTGTATCGAATGACTGTTCTTCGTGCGGTCTCCCTTCTTGCCCCAGTTATGGGCTCAGAAATCACATGCAC  
AAAGCTTTTACCTGTGGTTATCAGTTCTTCCAAGGACAGGGTTCCAAATATCAAGTTTAATGTGGCGAAGGTGT  
TGCAGTCCCTCATTCCCATAGTTGACCAACCTGTGGTGGAGAAAACAATCCGTCTAGTCTAGTTGAACTCAGT  
GAGGATCCAGATGTAGATGTTTCGGTTCTTTGCTAACCAAGCTCTTCAATCAATCGATCACGTGATGATGTCTAG  
TTAAACAGAATTCCATCTCCATCATAAACATCTTGACGAAGTTGCTTTTGCAAGATTGCTATTGTTTTAAGA  
AAGCGAAAATAGCTGTATGTTTCTTCTCGTCCCGTTGGTTGTTGTAGTGCAGTTTCTAGCGTGCAGAGCAAG  
GCATTCAAGACCTCTGGGTTTACTCAGTTGATCATTGTGAGTGATGAAATATCTCCATTGAGTAGACACTTCA  
CCATATGCTTTTTATCATTCTTGGCATCTATAATCTAATATTCTTTTTTCACTTTCTTTTTTCTTTTCAACAATT  
GACTCAGAATTTGTTGGATGTTAACTGGGGGACGGCTATGAAGTCTCATTGTATCTATACTTTTTTTGGTT  
GCCAACCTCGAATATCTACTGTAATAGTTATCAATTTGTATTAATTGTATTGACTTCACCCCAATATTCCCAA  
AATTAACATGGCTGCATATCTCGACCATAGACGTACTCTACCATATTATATGATCATCATTACATTTGTTGTAT  
TTATATATTTGTAAGGACGAGAGATACCAGGAAGCCAAGCTAGCCAACCTTTAAGTATGTAATTGACATGCAT  
TTTCAACTGCCATGGATGACTAAAGGGTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_231 NM\_126196|Arabidopsis thaliana QPT (QUINOLINATE  
PHOSPHORIBOSYLTRANSFERASE); nicotinate-nucleotide diphosphorylase (carboxylating) (QPT) mRNA,  
complete cds

AGTCGAACCCCTCGCAAGTTCTTGCTTTCTGCTCCCTCTTAGTTCTCTCTCGTCCTCAATTTCTCTTTATCTCCCA  
GTATAATCGCCAACCTTTTGAATTTCCAGACTGTGAACCACACATTCAGTCCCGCAAGACTTATGCAACCGC  
AATTCTACTTTATCTGCACACTCAATTAAGTCATTTGAGTAGATGTATATGCTGAATTTGTATAGACCCTCTTTC  
GGGCATCTCTGGCAATGCTGTGAACATAAGGATTTGTGGGGTTGTTCTAGAGGATTAACACACATTCCAATCT  
CTACTGCTCGCTGCTTAGGTTCCAGGAAAATTATTGCCATGTCTGCATCTGTATCAAACGATTCTGGGATATCA  
GTTGCATCAGTAGCAATCCAGCCTCCATCTCACCTACCTATGATCTGCGTGGCATCATCAAGTTAGCCCTTGC  
AGAAGATTCTGCTGACTTTGGTGATGTAACATCTTTGGCAACTATCCCTTCTGACATGCTAGTGGATGCTTTCTT  
TTTAGCCAAAGAGGATGGAATTGTTGCTGGTATTGCTCTTGACAGACATGGTTTTCCAGGAGGTTGATCCTTCA  
ATTAGGGTGGAATGGTCAAAAAAGGATGGAGATTATATTCGTAAAGGATTGCAATTTGGAAAAGTTTCTGGG  
AAAGCACAAAGCATTCTTGTAGCTGAAAGGGTGGCACTAACTTTATGCAGAGAATGAGTGGAATTGCAACT  
TTAACTAAGGCAATGGCAGATGCTGCAAGCCCTGCATGCATTCTGGAAACCAGAAAACTGCTCCAGGTTTAC  
GTTTGGTGGATAAGTGGGCGGTATTAATTGGTGGAGGTCAAAATCACAGGATGGGTTTATTTGATATGGTGT  
TGATAAAAGATAATCATATATCAGCAGCTGGCGGCATCTCAAAATGCCATTAAATCCGTGGACTTGATCTGCA  
ACAAAGGAACTTAAATGAACGTTGAGGTTGAGACCAGGACTCTCGAGGAAGTTCATGAGGTACTACGCTA  
TGCAACTCAAAACAAGACATCCTTAACTAGGATGATGTTGGATAATATGGTAGTTCCACTGCCAAGTGGTGAT  
GTTGATGTTTCCATGCTTAAGGAGGCTGTAGACATAATCAATGGGAGATTTGAGACTGAGGCGTCAGGAAAT  
GTTACTCTCCACACTATACATAAAATTGGACAACTGGGGTTACTTACATATCCAGTGGTGCGCTGACACATTC  
TGTGAAAGCTCTTGATATCTTTGAAGATAGACACAGAATTGGCCCTTCAAGTTGGAAGACGTACAAAACGA  
GCTTGATTGATGATTCAATCTTGTATTTGGTAAAATATTTATCCACTCAATCTTACAACGTCTCACCTATTCT

TTTTCTTTTGGTTTTCTTTTCTCCAACTGCAAATTTGGTCCCGATATTTTGATAAATTATCGTATGGCTGGTAT  
TTGATGGTATGGGGTAAAAGTACCCATCTATCTTATAAGAAGTGTAATTTTTTTTTCTTCCAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_232 NM\_121094|Arabidopsis thaliana glycosyl hydrolase family 3 protein (AT5G10560)  
mRNA, complete cds

CAGTAGCAACAGTTTATGAATATCAAAAGTACACCGACACCCCTGAGGATGCTGTAGCTGATGTTCTAAAAGC  
AGGATTGGATATTAAGTGTGGTACATTCATGCTTCGGAGTACAAAATCCGCGATTGATCAAGGGAAGGTGAA  
AGAGGAAGAGTTGGATAGTGCTCTCATTAATCTATTTTCGGTTCAAGCCCGCCTTGATTCTTTGATGGGAATC  
CAAGGGAGGGGATGTTTGGGGAGCTGGGAGCACAAAATGTTTGCACCGCACACACAAAACCTCTGGCTCTTG  
AAGCTGCAAGGCAAGGAATTGTGCTGTTGAAGAATGAAAACAGATTTCTTCCGTTGGATAAGAATGCCATTC  
TTCGTTAACTGTTATTGGATCTTTGGCTAATGATTCAAGCAAATTGCTTGGAGGTTATACAGGAGTTCCCTGCA  
GCCCAATGAGCCTTGTTGAGGGATTTCAAGAGTATGCAGAGACTATATTTTTGCATCTGGCTGCCTTGATGTG  
CCATGTGCATCGGATAGCGGATTTGACAAAGCAATCTTATAGCCAAAAAGCTGATTTTGTCAATTGTAGTGG  
CTGGACTTGACGCATCTCAAGAACTGAAGATCTAGACCGAGTTAGTCTTTTACTACCTGGTAGACAAATGGA  
CCTTGTATCTTCCGTGGCATCCGTGAGTAAGAAACCGATCATTCTGTACTCATTGGCGGAGGACCGCTTGATA  
TATCTTTTGCTAAGAAAGACTCAAGAGTTGCAAGTATTCTTTGGATTGGGAATCCTGGCGAAGCTGGTGGGAA  
GGCTCTGGCTGAAGTCATATTTGGAGACTACAACCCAGGTGGAAGGTTACCCGTAACATGGTATCCACAATCA  
TTCACCAACGTTCTATGAACGATATGCACATGAGACCCAACCCATCTCGTGGTTACCCCGGAAGAACATATCG  
ATTTTACACCGGAGATAGAGTCTACGGATTCCGGGAAGGCTTGAGTTACACAAGTTTCAAGTATAGGTTGTTA  
TCAGCACCAAAGAAGTTGAGTCTTTTGGGGAAAATTGAGATGTCTAGGAGAAGAATAATACCTCAAGTAGGA  
GATGGAGTGAATATGAGTTATATGGAAGTAGAGGAAGTAGAATCATGTGATTGCTGAGATTTGAAGTTAAG  
TTATCAGTTAGTAACGTGGTGAGTTTGATGGAAGCCATGTAGTGATGATGTTCTCTGAGTTTCCAAAGGTCTT  
GACGGGCACCCCTCAGCGGCAGCTGATTGGCTTTGATCGCTTGTATGTGAAGAGAAATCAATCGGCTGAAAG  
CAGCATAACGGTGGATCCTCGTAACCACGTTAGTTCGGCAGATGAATATGGAAAAAAGTGATTCCTCTCGGT  
GATCATATAATAAGCTTGGGAGATTTAGAGCATGTAATTTCAATCCAGGTCTTGGAAGTGTGTATATATATGT  
GAAATCAACACATCTTAAAGTATATGCTCGTGTTAAATTAATAATACCTCAACTTAAAAATTCGCAGTTGATTT  
GAGGAAGTATTAACAAAACATTGTTATTTTAATGAAGTTTATATTTAAGTATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_233 AB200262|Nicotiana tabacum pao mRNA for polyamine oxidase, complete cds

ATATTTCTCGTTAACATTTTCAATACCTTCTTCTATTTTCTTTTCTCTTCTTCAATTCCTCACTTAATGGAT  
TCTCCTTCTCGTTCTCCGTATCGTATCGGCGCCGGTGTTCCGGTTTGTCGGCGGCGAAGGTTTTGGTAGA  
CAATGGAATAGATGACTTGGTGATTTTGGAGGCTTCTGACCGTATTGGAGGAAGAGTTTGTAAAGGAGAATTTT  
GGAGGTGTATCGGTGGAACCTTGAGCGGGGTGGATTGTTGGAGTCGGTGGTAAAGAGCCGAATCCGTTTTG  
GGAACCTTGCTCTCAAACTAGTCTCCGTACTTGCTTCTCTGATTACAGCAATGCTCGCTACAATATCTATGATCG  
AAGTGGGAAGATTTTCCGAGTGGAGTTACGGCCGACTCGTACAAGAAGCGGTGGACTCGGCGATTGAGAA  
GCTGAGGAACCAAGGGGAGGATGCTGGTGATTTATCAATTGTATCAGAGCCACTTTGTACGCCAAAGACTCCC  
ATGGAACCTCGCTATCGACTTTATACTCCATGATTTTGGAGTGGCAGAGGTTGAGCCTATATCGACGATTTGGA  
TTTTGGAGAGAGGGAATTTTGGTTGCAGATGAAAGAGGGTATGAATGTTTACTATACAAAATGGCTGAAGA  
CTTTCTTTTACCTCAGAAGGAAAAATCTTGGACAGTCGTCTCAAACTCAACAAGGTTGTTGGGAAATACAAC  
ACTCGAGAAACGGGGTACTGTAACAACGGAGGATGGATGTATCTATGAAGCCAATTATGTGGTTTTGTCTGT  
TAGCATTGGTGACTCCAAAGCGACCTCATTTCTTCACTCCTTACCCGGGTGGAAAACAGAGGCCATAG

>trans\_c\_234\_273958|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB11J

>trans\_c\_235 NM\_001052744|Oryza sativa Japonica Group Os02g0198600 (Os02g0198600)  
mRNA, complete cds

AAAGAAAAAAAAAAAAAGTACAAGCTTTTCTCAATCTCCAATAGTTTCTTCTATGCTTCAAATTCAGCTCCGTA  
ATTTATTAAGTACAGATTTCTCCACCAACACTTACACATCGTAGAGCAACATCAAAGTATTGAGTTTACGAAGA  
AGAAGAAGAAGAAAAAGAAGATGAGAATCACTGTGATGACAGCCGACGAACAGATTCTTTCTTGGATGTTG  
ATCCAATGAATCTGTTGAGAACGTGAAGGCTTTGCTTGAGGTTGAGACTCAAGTACCGCTTCAGCGGCAGCA  
GCTGCTGTACAATGGGAAGGAGATGAAAAATTTGAAAAATTGAGTGGCTTGGGTGTTAAAGACGAAGATTT  
GATTATGATGGTATCAGCTGGCGCTTCTAGTGCTCCTACCAATAATTTGAGCTTCAATCCAGATGGTTCTGCAG

TGAACCCTGAAGCCTTCCAGCAACACATTAGACGTGACTCAAATACAATGGCTCAACTTTTCCAGAGTGATCCT  
GAATTGGCACAAGCTATTGTTGGAACGACCTGAACAATCTGCAACAGATTTTAAGAGAGCGTCATCGTCAAA  
GATCTGTATTACAGCGTCAACAAGAAGAGAAGATGGCCCTTCTGTATGCAGATCCTTTTGATGTTGAGGCCCA  
AAAGAAGATCGAAGCTGCTATTGCCAGAAAAGGAATTGACGAAAATTGGGCTGCAGCTCTTGAACACAATCC  
CGAAGCTTTTGAAGGGTGGTCATGTTATATGTTGACATGGAAGTTAATGGTGTCCATTAAAGGCATTTGTT  
GATAGCGGAGCTCAATCAACAATTATATCAAAAAAGCTGTGCTGAGAAATGTGGATTGTTGAGGCTTTTAGAT  
CAACGCTACAAGGGCATTGCTCGTGAGTAGGCCAATCAGAGATCTTAGGTCGAATCCATGCAGCTCCAATCA  
AGATTGGTAGTATATTCTACCCCTGCTCGTTTCTGGTACTGGATTCCCCAAATATGGACTTCCTATTTGGTCTGG  
ATATGCTACGGAAACACCAGTGTATTATTGATTTGAAGGAGAATGTTTTGAGAGTGGGTGGAAGGAGAAGTC  
TCTGTACCCTTTTGAAGAGAAAGACATTCCCCCTTCTCCTTTTGATGAAGAAAGGCTCTCAAAGGAAGCCTC  
TAGCTCTGGAGCGCCAGTGGCTTCATCCCCAACAGAGAACAGCAGAAATGCAACAGCTGCCCAGCTACAGG  
AAATGTTGGGGGAGCAGCCAGGGTCCGGAATTTGAAGCCAAAGTAGCAAAGCTAGTTGAATTGGGATTCCA  
AAGAGAGGCAGTAATACAAGCTCTCAAACATTTGATGGAAATGAAGAACAGGCAGCTGGGTTTCTTTTTGG  
ATGAGTAATCTGCATACAAAATATTTGTAGTCCATTCTTTGTGGATTATCTGTTTTCGATTTCTTTTTCAATTA  
TCAATTTAATCCACAAACATTCTGCTTGCTATTCAAATTTTAACTTATATTTAAACAATGTTTATGTTAAAC  
CAAAAGTTTAAACATTATAATGTTATAATGGATATTTTAAAGGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_236 GU124691|Populus tremula x Populus tremuloides heterotrophic ferredoxin NADP+  
oxidoreductase mRNA, complete cds

ATCTAATTCCTTCCCTTGCTGACTTACTTCACTTCTGGGTATGATCCACCATTTCCTATAAGAAGCATTATCTTC  
GACAACTTTAAAATCGCTTCCTTCCTCATACACGGCCTCTGCAATTCGGAAATGGCCCACTCTACCTTTTCTCAG  
GTTGCTGTTGCTGTTCCAGTTGGAAGCGATTTGTCTGTTAAGAGATCAGTGTTCAAGACAAGTAGCCTAAACTT  
CCATGATAAGCCATGGTCACCTGTCATAGCCCTGAACTTGAGCCTGAGGGGCACTCGGGCAAGAGGTTGGCA  
AAGGCAAACAGTATGCATGTCAGTGCAGCAAGCAAGTGCACCAAAGGTATCTGTTGCTCCTTTAGACCTCGAG  
GATGCTAAAGAGCCTCCATTGAATTTGTACAAACCAAAGAACCTTATACCGCAACTATTGTTTCGGTTGAAAG  
ACTTGTTGGTCCCAAAGCACCGGGGAGAGACTTGCCATATTGTTATCGATCATGGTGGCAATGTCCCCTATTGG  
GAAGGTCAGAGCTATGGTGTTATTCTCCAGGTGAAAACCCAAAGAAACCGGGGAGTCCACACAATGTTCCGG  
CTCTACTCAATTGCATCAACTAGGTATGGAGATTCTTTTGATGGCAAGACTGCTAGTTTATGTGTTCCGCCGGGC  
CGTTTATTATGACACTGAAACTGGAAAGGAGGATCCTTCAAAGAACGGAATATGCAGCAATTATTTATGCAAC  
TCAAAGCCTGGAGATAAAGTTCTGATCACAGGTCCATCGGGCAAGATAATGCTTCTTCCCGAAGACAACCCAA  
ATGCCACCCACATAATGATTGCTACCGGCACTGGCGTCGCTCCATTTAGAGGTTATCTCCGTCGAATGTTTCATG  
GAGTCTGTACCGACATTCAAATTTGGTGGCCTTGCTTGGCTTTTCTAGGAGTGGCAAACACTGACAGTCTTTT  
ATATGACGATGAATTCAGCAAGTATCTCAAGGACTATCCAGATAACTTCCGCTACGATCGAGCTCTTAGCAGG  
GAGCAAAAGAACAAGAGTGGAGGAAAAATGTATGTCCAGGACAAGATCGAAGAGTACAGTGATGAGATCTT  
TAAACTCTTGGATGGCGGAGCTCACATATACTTCTGCGGATTGAAAGGGATGATGCCTGGAATTCAGGACACA  
CTGAAAAAGGTTGCAGAGCAAAGGGGTGAGAAATGGGAAGAGAACTTTCACAGCTTAAAAAGAACAACA  
GTGGCATGTTGAAGTTTACTGAAGTGTTGTTGCATAGAAACGTCTACGTTGATGTCTGCTTAAAAGATGTAGC  
AGCACATGATCTCTGTTCTGTGTTACTCTTTCATTGCTCATCTTCAACTTCAAAGGTTAAGATGACGAATAA  
GGTGGCCACAGTTATTGATACTCAGATTTGTCTTAAATTGAACTACAGGAACTTGCTGAGATTTTTTTTTCTCTT  
GCGTAAGGAACCTATTACGACCTTAATCTGTGAGTATTGTTGCTTGAAATGGAATAAAGTTCATTTTAGAAT  
CCAAGTCAAGATTATCAAGTTTCTCGTGTAGGAGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_237 AY093136|Arabidopsis thaliana 26S proteasome subunit-like protein (At5g45620)  
mRNA, complete cds

ATTCTTTTCTTTGAGAACAAAGAAAAAGAAACAGAGGAAGAGGCAGAAATTATATAAATTGGATTCTCTTTTTT  
CTTTCTTTTCCCTCTTCGAAAATCCATAGCCGGAGCAGCCATGGCCGCTTTACAGTACCTCGATTCCCTTCGTAA  
CTCGCATCCTGAGCTTGCTGAATGGTACAACACCCTCGCAGATCTGTACCAGAAGAAGCTTTGGCATCAGCTC  
ACGCTCAAGCTCGAGCAATTCGTCGCTCTGACCGTCTTCCAGGCTGGTGATGCACTGATTCAAGTTGTATCATAA  
CTTCATCACTGATTTTGAGACCAAAATCAATCTTCTCAAGCTTGACATTTTGCTGTGATTGTCTCACGTCAATA  
TGCGGAGAAGGAAGCCGCCATTAGTTATCTTGAAGGGATAATTGAGAACTAAGGAGTACTAAAGAGCAGC  
GCATAGAGGAGCCTATCCTCTATATTAAGATGCAAATAGCTATTTTAACTTGAGCAAGGTGACCGAAAAGA  
GTGCAAGAACTATTGGAAGATGGAAGAGCACTCTTGACAGCATGACGGACATTGATCCATCTGTTTATGCT  
AGCTATTATTGGGTTTCATCTCAATTTTACAAGTTCCGCCAAGAATTTGCTGAGTTCTATAAAAGCGCTCTTCTT  
TATCTAGCATACCTCAGTGGAATCACTGTCAGACTCATTTAAATTGGATTGGCATTGATTATCTCTTCT  
GCACTTCTGGGAGACAACATCTACAACCTTTGGAGAGCTTCTTGGACATCCTATTATCAAAAGCTTGCTGGGCAC  
AAAGGTCGAGTGGCTTTACTACATTCTTCAGGCATTCAATTCTGGTGATTAGTTGCTATCAAGAACTATGCC  
AAGTCCATAACGCAGCTTTAAGGGCCCAACCAGCTCTAGTTGAGAATGAGAAGAACTATTAGAGAAAATCA  
ACATCCTCTGCCTCATGGAAATTATCTTCAGCCGGCCGTCTGAAGACCGAACCATTCCATTGAAGGTTATAGCA  
GAGCGGACAAAACCTTTCTATAGAGGATGTGGAGCATCTACTAATGAAGAGTCTCTGTCCACCTTATAGAGG  
GTATAATTGATCAAGTCGAGGAAACGGTACACGTTTCTGGGTGCAACCTAGGGTTCTGGGCATTCAACAGAT  
CAAGTCCCTGCGAGACCGGCTGGACAATTGGGTGGATAAAGTGCATTGACTTTGCTCTCAGTCGAGGCCGA  
GACCCCTGATCTAGTTGCATCATAATCCTCTTCATTTCTCTCTAAACAATTTAGCCGAGGGACAAAACAAAAG  
CCAGGAGAACTACTGCCGATCCTCTATATGATGATTTTCATGTGCTGGCTGGCTGGCTGGTTTTGAAGCTGTC  
TTTTCATCTTGCCTACTGCTTCTTGAACATTTTTCTAGGAAGCAGAAGCCTCTACTTCAGTCTAGTTAGTTTTAA  
AAGTGAGCATGGATTGGAGGAGTTGGAATGGACTTAAGTGGGTATTAGACTTCCTTCTGTATTTGTTTTACTTT  
TGTTGCATACAATTGAGTTTTGGTGTGCTCCATGGAAATCGATTTTCATGATTAAGTTTAAATCTTA

>trans\_c\_238 XM\_002887704|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATGGH1, mRNA

GAGAGAGAGAGAGATAACATTTTCGGCTTCACTGATCAGAGTCATCATCTTCAACGCTTCACCAATATAATAA  
GCTTCCATGAATTCATCAATGGCATTCTTCATCGTCTCCTTCTCTGTCTTTACTCCCACTTCCTCGCTCTCACA  
CTTTACTTGAACAACCTCCCTCATAATGTTCAAAAAAGTGGTTGGCTTCAAGCCCACCATTTCTGAACACCCCTT  
TTCTCCGGCTTCCGTTTCCCTCTTCAAATACACATGGGTTTTCTCCTAATCATCATCTCCCTCAAATTTAGCCTC  
GTTACAGCTGTTTCATCCGTACCCCAACATCATCTTACCGTCTCAATCTGTCCTTGACTCGTCGCCCTCTGTACA  
GCAATGGATCCACGTTGAATTACCGGCCGGTGATCGGAATCCTTAGCCATCCTGGCGATGGTGCTTCCGGTA  
GATTAAGCAACGCGACGAATGCGTCTTACATAGCTGCTTCGTATGTCAAGTTTGTGCAATCGGCTGGAGCAAG  
AGTTATTCCGCTTATATATAACGAGCCGCTTGAGGTTATTTTCGAGAAGCTTAGTTTGGTCAATGGAGTGCTCT  
TCACTGGAGGATGGGCTAAAAAGGGTTTATACTATCTTGTTGCTGAGAAGATTTTAAAGAAAATGTTGGAGAG  
GAATGATGCTGGGGATCGTTTCCCTTATATGGCGTTTGCTGGGTTTTGAAATCCTAAGCATGATCATCAGCA  
AGAATAGGAACATTCTTGAACCATTTAATGCATCGTATATGGCATCCACACTTCAATTTGTGGACAATGTAAAT  
ATTCAAGGAACAGTCTTCCAAAGATTTCCACATTATTTGCTGGAGAAGTTGAGTACAGATTGTATTGTTTTCCA  
AAACCATCTTTATGGTATCTCGCCAGAGAGATTTGCACATAATGAAGAATTGTCCAGATTTTTTCAGATATTGA  
CAACTAGTAGTGACAAAGACAATAAGGTCTATGTCTCGTCTGTACAAGCTTGGGATTATCCTGTGACTGCATTT  
CAATGGCATCCGGAGAAAAACGCATTTGAGTGGGGCTACTCCGTGATTCCGCACACAGAGCATGCGATTGAA  
GTGACACAACATGTTGCCAACTACTTAGTCAGTGAGGCCAGAAAATCATCGAACAGACCACCTGCACAGAAG  
GTTATTGAAAATCTCATCTACAACATATAGCCCAACTTTTGGTGGCAAGGCTGGGAAAGGATTTGATGAAGTTT  
ACATATTCACATAGAAAATCTCCAGCTACCTGATCAAATGTACAACCTGCCATCTGTCTAGTGGAATTGAATTGT



TGTACTATTACATTGAGAAGTGATTATTTTCCATTGAGAAAGAAAATTAGAAAATTGGCAACACTTAGTTATGT  
AACTTCTAGCATGTATCCCACCATCTTAGTTTCCACGCTTTGAATAATTGTTGAGACTGCTCAGATGATATTACT  
GATTCAAATTTGCTTTTGTGTTAGGCTTTTCTTCTATGCCAATTTGAAAATAGTTTAAATGGCTAGCCTATTTTCTA  
AAATTAAGTAAATTAATCAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_239 XM\_002888391|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin carboxyl-terminal  
hydrolase family 1 protein, mRNA

TCTACATTAATTTCCGAAAAGAAATGGAAGAGAAAAAAAAAACCTCGGCAGCCCAGCAGCCCTAATCTATTCA  
CCGTGTTCCACGCCATCTCCTCCTCTGTTTAGCAGCTCAGTGTCACCGCTATCTCCCTACTGTTCACTGTTGCCG  
CCGGAGCCTCCCTCATAGCGAGTTTACATTTATTTTCTACCTTGTATTGTTACCGCGTTTGAATCGTCATGTCTT  
GGTGACAATTGAGTCTGATCCCGGTGTCTTTACGGAGCTTATTCAACAGATGCAAGTTAAAGGTGTTCAAGT  
TGAAGAGTTGTACTCGTTGGATCTCCACTCTTAAACAATATGAGGCCTATATATGGTTTGATATTTCTATTCAA  
ATGGCGTCCAGGGGACAAAGATGATCGTCTTGTATTAAGGATCCTAACCCAAATTTATTTTTTTCGAGTCAG  
GTAATTAACAATGCTTGTGCAACTCAAGCAACCTTGTCTATTCTGATGAATTGTCCCGATATTGACATTGGCCC  
AGAGCTATCCAAGTTGAAGGATTTCACTAAGAACTTCCACCTGAACTCAAAGGTTTGGCTATTAATAATAGTG  
AAGCTATACGTACGGCCCAATAGTTTGTGAAGGCCAGAACCTTCGTTCTGATGAGCAAAAAGCTTCTAG  
CAAGGATGATGATGTGTACCATTTTATAAGCTACTTACCTATCGACGGGGTACTTTATGAAGTTGATGGGTAA  
AGGATGGACCTATTAGCCATGGCCCTTGCCAGGCAGCCACGGAGACCTTGAGTGGCTGAAGATGGTTCAAC  
CTGTGATTCAAGAACGCATTGAAAGGTACTCAAAGACTGAAATAAGATTCAACCTCATGGCCATAATTAAGAA  
TCGAAAAGAGATGTATACTGTTGAGCTTAAGGAGCTCCAGAAGAAGAGAGAGCGCATTTTGCAGCAGTTAGC  
CTTGCAATCAGAAACACTGTTGGAGAATAGCAATAATGAATTTTTGAACAAATCGCTATCAGAAGTAAATGCT  
GGGATTGAGAGTGCTACAGAGAAAATCTTGATGGAAGAGGAAAACTCAAGAAGCGGACAACTGAAAATAT  
CAGAAGGAAGCACAATTACATACCCTTTTTGTTCAACTTCCTAAAGATTCTTGCGGAAAAAAAAACAGTTGAAAC  
CCCTTATCGAGAAGGCTAAGCAGAAAACCTGGTGGCCCTAGGTGAAGCTTGCTTTGGGTACTCTTGTAATAT  
CGTTGATATGTAGCTTACCTTTTTGGTGTTCTTACCCTACACAATAGATAATCTAATCTTTTTCAACCCCTCGTCT  
TTGGTGTCACTCTGCACAAGAATCTTTTTATTTGTTGCAATATACACTTGATGATCTTCATGCTTAACTTTGGA  
TAAAGAAAAGACTACACTTCTTTTGTTCCTGAATCCATATTCCATATACATATCACTATCTTTGTATATGTTCA  
GGTTTAGATGAGTGAGAATGTTGAATAATCAAAAGTAGAAAAAGGATGAAGGAGCCAACAAAAAATTGTATG  
AATGGCCTCTTTTAGGGGCCCACTGTAGTTTGGTCGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_240 AY108117|Zea mays PCO082212 mRNA sequence

AACTAAGGGAAAGAAAATAAAAGAAAAAGGAAAAAGAGGAAGAGGTTCACTTCACGTTGAGCTGCCCCCTAC  
GGTTTCAACTGCCATCTTATCCGGCGACGGCGAACGTCTACGTGCGGCGGCCTGACACTAGATCTGTGGGTTG  
AATCCACCTGCTGTAATCGACGAACGACGAACAGTACGCCGGAACGCCGCTCCTCAGTCGGCCCTGTTATT  
TTTCTGTTTCGAGCTACAGCAGTGAACCTCTGGCGGACGTTTCGATCCTAGCGATTATAGTTTAGAGATACTCA  
TGTATCGTAAGCTTCAGCAACGCGTTCTCAACTGATCGGTGGCCTTCAAACGACACTCCAGCACTGTGCCGCTC  
GCGCTCGACCTCTCCAGCGAACCCGGGGCTTCATCGGCGGAGACTCCTCCGGTAGTGGTAATCCCCAACG  
CCCACGGCTCGATCGACTCTGGATCTGATTACCCCACTTCATTTTGGCGGCAAATCTGTGAGTTGGAAGGATTT  
TGGACACTGTTTCAGCAAGATTAAGGCTTTGAACGAGTTTCGTAGGGACTTCCAAGGGCCCTGTTCTTAAG  
AATTAGGGAATCATGATTGGAGTTGGGAAGATCAAGCAATATTCTAATGTCCTCGAAAGACCTCTCAGCAAGG  
GAAAACAGGAGGTGAGCTTGAGTGCTTTTGATTCTTGTCTCCGAACTTGTCGAATACAATCAGACTCAAGTT  
GACAATATTGCTGAGTTAGAACGAAGGTTGGAAGATGCGGGCTATGCAGTTGGTGCTCGAGTATTGGAAGTT  
TTTTGTCACCGAGAGAAGGATTTATTTTTGGTTNAAAACACATTGATAGATACTCTAATCCTTTGGTCTAGGA  
TGGGAAATAGACGGGAGACACGATTATTAGGCATTCTCTATTTGTACACAGCACAATTTGGAAGGTTTTGTT

>trans\_c\_241 AY124881|Arabidopsis thaliana AT4g00720/F6N23\_11 mRNA, complete cds

>trans\_c\_242 AF249675|Olea europaea beta-1,3-glucanase-like protein (OLE9) mRNA, complete cds

[illegible]

GCCGTCGTCGGGGAGGATTAATCCGATGTTTGAAACCACCATGAAGGCGGTGGTGGGAATTTTTGAAAGAGAA  
CGAATCGCCATTTGCGATAAATCCTTACCCGTTTTTTGCGTATCAGAGTGATCCAAGAGATGAAACGCTGGCGT  
TTTGTCTGTTTCAACCTAACTCGGGACGAGTCGACTCAGGAAATGGAATCAAATATATGAATATGTTTCGATGCT  
CAGCTTGATGCAGTAAGGTCTGGTTTGAATGCTCTAGGTGATTTCAAGGATGTTGAGATCATGGTGGCTGAGA  
CGGGGTGGGCGTATCGTGGTGATAGCAATGAAGTGGAACAAGTGGAATAATGCAAGAGCTTACAATGGC  
AATTTGATTGCACATCTTAGATCAATGGCGGGTACTCCATTGATGCCTGGAAAATCAGTGGATACATATATCTT  
CGCTCTCTATGACGAAAACCTTGAAACCAGGTCCCACCTCCGAACGGCCATTTGGGCTGTTTTATCCCAATCTAA  
CTATGACCTATGATGTCGGACTCTCAAAGAACAGCCAGACTCCAACGACTCCAACAACACCAACCCCATC  
GCCCCAACCGACTGCGCCTGTTTGGTGCCTGCCGAAGGCTGACATTCCTGATGATCAACTTCAGTCAAATCTCG  
ACTACGCTTGTTGGGCACGGTATCGATTGCGGGCCAATCCAACCAGGGGGTGCCTGTTTTGAGCCAAACACTGT  
AAAATCACATGCTGCTTATGCTATGAATCTCTATTACCAATCACTTGGAATAATCCATGGAAGTGTGATTTCTC  
ACAGACAGCAACACTAACATCCACAAATCCTAGTTATAATGCTTGACATACCCTGGAGGAAGCACCTAAGAA  
GGGAGATCATATTTTGCCTTTGATTTAGATAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAATTCTCAAAGTGTAGGTGTTAATGAC  
ATTTGAAAACAAACAAATGAAGCAATAATCTTAATTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_243 XM\_002866338|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPDX2/EMB2407/PDX2, mRNA

ATAGTTTTGTTATACAAAATATTTTTCTAGTGCAATAACTTTACATGTAGAGAATGAAATATAGTTTTTCATTGA  
ATTTGCAAGTTGAGCATCTTTTTGAAAAATACAATACAATTTGCCAAAAGTGGGGATTGTGAGCCGCCAGCCT  
CGGATGCAGCGACGCTTTGTTCCAATTACCGCCACTCGAAATGAGAGGTTGAAATGTTCAATCGACACACGC  
TTCTGATTCCCTCTCAATCCCTCCCTCCTTTTTCTTTTTGTTTTGCTTCGCCGGAGCCGGAGTTGCCGGCTTC  
TAGGGTACTCAACTCTCAATTCACTACCATGACGATCGTCGGCGTTCTTGCTTTCAGGGTTCTTTTAACGA  
ACACATCGCAGCTTTGAGAAGGTTGGGAGTGAAGGGCGTAGAGATACGGAAGCCTGAGCAGCTTCTTAATGT  
AGCTTCTCTGATTATTCCTGGCGGGGAAAGCACCACCATGGCCAACTTGCGGAGCTCCATAATTTGTTTCCTG  
CTTTGCGAGAGTTTGTTAAAATGGGGAAGCCTGTGTGGGGCACCTGTGCAGGACTTATCTTTTTGGCAAACAA  
GGCTACTGGACAGAAAACAGGTGGACAGGGACTTGTTGGAGGTCTGGATTGTACTGTTACAGGAACTTCTT  
TGGCAGTCAGCTTCAAAGCTTTGAGTCAGAGCTCTCGATACCAGAGCTAGTGTCTCCGAAGGTGGTCCAGAA  
ACATTTCTGAGGCTTTCATCCGAGCTCCTGCAATTCCTGATGTGGGACCCGAAGTCCAAGTGTGGCTCACTG  
CCCTGTCTCTTCAAAGTCCAAGTTCCTGCTGCTGGAAGGCAAAAAGGAAAAAGATGCAGAAAGT  
AAAGTGATCGTAGCAGTGAGGCAAGGGAAGTGTCTGCAACTGCCTTCCATCCTGAATTAACATCAGATAATA  
GATGGCACAGTTACTTCTGAAGATGGCTGGTGATGTGGAAGAATCCTCAAGTAGCTTAGAAAGCATAGGAG  
TTAACAATTCAAGATTCGAAAGATCGAAGAGCGACCTCCAATTTTTATTTAGTTTAAACCAATTGAACTCCTCC  
ACAACCTAAATTTACAGTTTCAAGTTTCATTGGAGGTTTAATCCATCTATTCTGTAGTTTGCACCATGTTTTATCT  
TCCTTATGTTAAGTTACAATATTCTTCTACTGCATTAAGTTGATTTTACTAGAACTTTGTGTAGGAGATGCTGTA  
CATGGAGTCTTAATTTGAAAAGATTCATCTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATCAACCCCCCCCCACCCGGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCA  
ATCCCCCAAAAGGGGGTTTATTTACCCCCCCCCGGGCCCTTTTTTAAACCCCGGGGGGGGAAAAACCC  
GGGGGTTCCCAATTTAAACCCCTTGGGCCACCCCCCTTTCCCCCGTGGGGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_244 NM\_001066640|Oryza sativa Japonica Group Os07g0581300 (Os07g0581300)  
mRNA, complete cds

ACTTCACAATACCTGCTACTCCTTCACTTCCTGCCGTAATTGGTGTATCCGATACTGTAATTGAAGATCGTTTTG  
GCGTTGAACATGGTACTGATGAGTGGTTTGAGGCATTGGATGATCATTTTAAATGGCTTCTTCAATATAGAAT  
CAGTCCATATTTCTGCAGATGGGGTGTGGCATGCGTGTTTAACTTACACCTGCCCTGGCCAGCTGATCATC

CAAAGTCAGATGAATATTTTTCGGACCCACGACTATCAGCTTATGCTGTACCATATAGAGCAGTCTTTGGTGGT  
GATGCGGCAAAAGATTACTTGCAAAGAGAAGTTGAGATATTGAGGACAAAGACGCACTGGAAGAAAGCTTAT  
TTTACCTGTGGGATGAGCCATTGAATATGGAACATTTTGATTCTGTTTCGCAGTATGTCTAGCGAGATTCGTGC  
TTATGCTCCTGATGCTCGTGATTGACAACATACTATTGTGGACCCAGTGATGCACCTCTTGACCTACTACGTT  
TGAAGCATTTGTGAAGGTTCCAAGTTTCTGCGCCACATACACAAATTTATTGCACAAGTGAATGGGTGCTTG  
GTAATCGAGAGGATCTGGTCAAGGATATAATTGCTGAATTACAACCAGAGAAGGGTGAGGAATGGTGGACA  
TATGTCTGCATGGGACCAGGTGATCCCCATCCAAATTGGCACCTTGGTATGCGAGGTACCCAACATCGTGCTG  
TCATGTGGCGTGTATGGAAAGAAGGCGGGACTGGATTTCTTTATTGGGGTGCAAAGTGTATGAGAAGGCAA  
TGGTTCCGAGTGCAGAGATAAGATTCAGGCGAGGCCTACCTCCTGGAGATGGAGTGCTTTTCTACCCTGGGG  
AGGTTTTCTCATCTTCACATGAGCCAGTTGCTTCAGTAAGACTAGAGCGTCTTCTTAGCGGTTTGAGGACATT  
GAATATCTGAAGCTTTATGCATCAAGATATGGTAGGGACGAGGGGGTGTCTTTTTGGAGAAAAGTGGAGTC  
TATCAAGGACCTGAACGATACACTCACGATCACATGCCAGTTGATCTAATGCGGGGTGAAGTCTTCAACTTAT  
GTCGATCATAATATGATTGCCTGTAAAAATACAGTGGAATCGTAGATTTCCAGGCGGGAGTTCTTAGTCGA  
GGACACGTCAAATACTTGGAGATGAGAGATTCTTGACACGTTTGGATCTGACTTGAATATTTCTTTTGAAGC  
CCTTTTTGAAGTGAGGTAACTTTCTCGTTATTGTACAATATCTGCAACATTATTTCTTCTCAAGTAGCTAGTC  
AATATTGAACAACCCTGTGCAAAGAACATGCGTATAAAATATTAGATTTAGGCAGTAGTAACCTGCACGATCG  
TGCATGATGATGAAGTTCTGTTGTTTTTCCCCCTCCTTGGTAGCATTATAGCTACCCCTTCTAGCTACGGTAG  
TCATAGTCCTACTTTAAGTTCTAAGATTGTGGTGTTTTGCTTGAGTTTCAGTGTATTATCCTTTCCCTTTATTGA  
ATAAAAGTTAAATAATACTTCTCCATCCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_245 X71609|N.tabacum mRNA for ras-related GTP-binding protein

AAATAAAGAGGGGTGTTTTGCTTCCAAGAAAGGCATCTGTCCTTATTGTTTTGCTTTGCTTTGCTTTCATCTTT  
CTTAACCTTTTTCTCCCGTCAACGCCTGTTCTTTCATAATTCTTTCGATCTTTCCTTGATTGCGGTTTACGGC  
CATGGCCACCAGCGGAAACAAGAACATTAATGCCAAATTAGTGCTTCTTGGTGATGTTGGTGCTGGGAAGTCA  
AGTCTAGTGTTGCGTTTTGTAAAGGGCAATTTGTAGAGTTTCAGGAATCAACAATTGGTGCTGCCTTTTTCTC  
TCAAACATTAGCTGTAAATGATGCCACTGTGAAATTTGAAATCTGGGATACAGCTGGGCAGGAGAGATACCA  
CAGTTTGGCTCCAATGTATTACAGGGGTGCAGCTGCAGCTATTATCGTCTATGATATTACTAACCAAGGTTTAT  
TTGATCGTGCAAAAAAATGGGTTCAAGAACTTCAGGCACAAGGCAATCCAAATATGGTCATGGCTTTAGCTGG  
GAATAAATCAGATTTGTTGGATTCTAGGAAGGTTGCTGCAGAGGATGCTCAAACATATGCACAGGAGAATGG  
CCTTTTCTTCATGGAACCTCTGCAAAAAGTGCTGCTAATGTCAATGATATTTTCTATGAAATAGCAAAGAGAT  
TGCCACGAGTGAACCAAGTACAGAATGCACCCGGGATGTTTCTGGACAGACCTGCTGAAAGGGTTGCGAGCA  
CATCATGTTGCTCGTAGAATTGGTTCGTCATTTCAGTTTAAAGTGTCAGCAGCTTGTCTTTCATTTGTATGAAG  
AATTCTAAAAGGAAAGAAAAAAGGAAAAAGAAAAAATGGAAGCAAGGTTGTTGATGATGAATGGGATT  
TATTATGTGTAAATTGACTGTTGTTTTTAGATGATATGCTTATTTTGCAGCCACAAGAAAAGTGGCAAGACTAC  
TTTGTTTTATATATGACCATTGTGCTTGCTTCACATCCACACTTATCCATACTCAAAGCCACTCCCTCACTACAT  
GAAACACAGGCTCTGTGAATGTGAGTAGTTGTTAACTCCTTTTGTTAATGAAGTTTTCTATATTTGATGTGATT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCACCCCCAAAAAATTTAAAAAACCC  
CCCCACCCCGGGGGGGGGCCCCCGCCCCCATTCCCCCAAAAAGAGGCCCCAAAAACCCGGCCCCCGGGCCCC  
CTTTTTAAAAACCCGGAAGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCCAATTAATCCCCTTTGAACAAACCCCTTTTC  
CCCGGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTTCCCAAAAATTTCCCAACCCAAAAAGGAAAA  
GGAACCCCCCTAAACCCCAATTAACCCCGGGGGGGGGGGGTTAACCCCAACGGTACCCCTACATTG  
CCCGGCCCCAAAGCCCCCTCCTTTTCTTTTTTCCCTTTTTTTTCCCCCTTTCCCCCGGTTTCCC

>trans\_c\_246 AJ313093|Beta vulgaris mRNA for salt tolerance protein 2 (sato2 gene)

ACTGGCTAGGGTTTTCTTCTTTCATCCAATCCTTCTATTTCTCTGACGCTCACACTCTTTTCTCCTCCTTAGCTCA  
ATCCTTTCCCTTTGATTTTTTATACCTTTCTTTTATCTTCAATCCTTCTTGCTTCTTCATGGATCTCACTCATCTCT  
GAGAAGTTTTCGTTTCTGGGGTTCGGTTTTTCACTTTGCAGTTTCGTCGCTGGGTGTCATTTGCAAGTTCTAGGT  
TGAACGGATATGGCAACCATGAACCCCTTTGATCTCTTGGTCGACGACGACAACGAGGACCCTAATCAGCTTG  
CTTCCGCTCAGCGCTCCGCTCCTGCGCTCCCTCTAAGAAAGCCCCTGCTCCGGCTCAGCCTGCCAAACCGGCT  
AAGCTTCCTTCCAAGCCCCTCCCTCCTGCTCAGGCTGTAAGGGAGTCAAAGAATGAAAATAGCCGTGGTGGTC  
GTGGTGGCGGACGTGGCTTTGGGCGAGGACGCGGTGGTGGTGGTGGAGGATTCAACAGAGACTCAGCCAAC  
AATGAAAATAGTGGCAGGAATGGATTCTCTGATCGTTACCAGACACCTGAAGATGGTGAAAAGGCAGCTGAA  
AGGCGTGGTTATGGTGCTCCCCGCGGATCTTTCCGTGGTCTCGTCGAGGAGGCTTTAGCAATGGTGAAGCTG  
AAGAAGGGGAACGACCCCGAAGAGTATATGAACGCCGGAGTGGAAGTGGGCGTGGAACGAGTTTAAGCG  
CGATGGGGCTGGTCGTAGGAACTGGGGTGCACCTGGTGATGAAAATGCCCGGATGTGGAAGAGCCTGTTG  
CTGAAAATGAGAAGAATGTTGCTCCAGAGCAACAATTGGGAGAGGATGGAGTTGATGATAACAACAAAGCC  
GAGGAGGCTGCGCAGGAACCAGAAGAGAAGGAGCCTGAGGATAAGGAGATGACCCTCAAAGAGTATGAGA  
AGCTCCGTGAAGAGAGTAGGAACTGCTGGCAAAGACTGAGGTGAGGAAGGCCGAGGTGGATGAGGAATT  
AGAGAACATGCAGCAGCTTTCCAGCAAGAAGACCAATGATGAAATATTTGCTAAATTGGGTACTGATAAGGA  
TAAGCACAAGGATGTTGCTGACAAGGAGGAGAGAGCTAAGAAATCTGTGACTATTACTGAGTTCCTGAAACC  
TGCGGAAGGTGAGAGGTACTACAACCTGGCGGTCTGGTAGAGGCCGTGGGCGAGGCTCTAGAGGTGGGT  
TCAATAACGGAAGCAACAGAATGAATGTGGCAGCTCCCTCCATTGAGGATCCCGGGCAGTTTCCTTCGTTGAG  
TGCCAAGTGAGAATTTTACCACTTAAAAAATGGCCCTATTTTGTCACTACATTTTAAAGTTTTCTTGAGATAAT  
CAGATCAGGATTTTTGAGTTACAATTACCAACAGGATTCTGAGACTTCCTCTCTAATGCTCTGCTATGTAGTGT  
AAATCTTGATGTTATGGTCTTGAATGGTCGTAAGTTATGCATCAATTTTGATTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_247 AB007907|Glycine max mRNA for 6-phosphogluconate dehydrogenase, complete  
cds

CATCTTTTTCACAACCCCGGATCTCTAATTCTTGGGAATTTGCCTCTTCTCGATCCATTTCCACCGTAATTGAAA  
AATATTCAGCAGGTAAAAACATGGCTGCTCCAGGAAAGCTTACAAGGATTGGTCTTGCTGGTTTGGCTGTAAT  
GGGTCAAACTTAGCTCTCAACATTGCAGAAAAAGGCTTCCTATTTCCGTATATAACCGAACAACCTCCAAAG  
TAGATGAAACGGTTGAACGAGCAAAAGCTGAAGGAAACCTTCCTCTCTATGGCTTCATGATCCTGAATCTTTT  
GTACAATCAATTCAGAAACCTCGTGTCATAATCATGCTTGTTAAAGCCGGGGCTCCAGTTGACCAAACCATTA  
AACCTCTCTGCTTACTTGGAGAAAGGTGATTGTATTATTGATGGTGGTAATGAATGGTATGAGAACACTGAA  
AGGAGAGAGAAAGCCATGGCTGAATTAGGTCTGCTCTACCTTGGAATGGGAGTTTCAGGGGGTGAAGAAGG  
TGCTAGGAATGGTCTTCTTTGATGCCTGGAGGATCTTATGAGGCCTTTAAGAACATTGAGGACATTCTTGTTA  
AGGTTGCAGCCCAAGTTCCCGATAGCGGTCCCTGTGTGACTTACATTGGCAAAGGTGGATCAGGTAATTTTGT  
GAAGATGATCCACAATGGAATAGAATATGGTGATACGCAGCTGATTGCAGAAGCTTATGATGTTTTGAAATCT  
GTGGGGAAGCTATCAATGAGGAACTTCACCAAGTTTCTCAGAATGGAACAAAGGCGAGCTTCTAAGTTTCT  
TGATTGAAATCACTGCAGATATCTTCAGCATCAAGGACGACAAAGCCGATGGCTATTTAGTTGACAAAGTTTT  
GGACAAGACCGGTATGAAGGGTACCGGTAAATGGACTGTTCAAGCAAGCTGCTGACCTCTCAGTTGCTGTCCCT  
ACCATTGCTTCTTCTCTTGATGCAAGGTTCTTAGTGGTTTGAAAGAAGAGAGGGTGAAGCAGCAAAAGTCT  
TTGGATCAGGTCTTAATGATGTCTTGGCTCCTCAAGAAGTCGATAAAGCAAAGTTGATCGATGACGTGAGACA  
AGCTCTTTATGCATCCAAATATGCAGCTATGCTCAAGGCATGAATTTGATCCGTGCCAAGAGTATTGAGAAG  
GGATGGGATTTGAAGTTGGGTGAACTTGCCCGGATTTGGAAGGGAGGTTGTATCATCCGAGCCATATTTCTC  
GATAGAATCAAGAGGGCCTATGATCGTAAACCCGATCTAGCCAATCTTCTTGTTGGATACAGAATTTGCTAAGG  
AAATAATGGAACGACAGTCAGCTTGGCAAAGAGTTGTATGTTTGGCCATCAACTCAGGCATCAGCACCCAG

GAATGTCCTCCAGTCTCGCTTACTTCGACAGCTACCGGAGGGAGAGATTGCCCGCTAACTGGTCCAAGCTCA  
AAGAGACTATTTTGGTGCCCATACATATGAAAGAACTGATGTGGAAGGATCTTCCATACCGAATGGTTCAAG  
ATCGCCAAACAGCTTAAGAACTGAATGTATTCATTGCCATAATCCCGAAAGTAGGACAGGTTTTTCATT

>trans\_c\_248 XM\_002314153|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAGTGCATGCGATTCTCCACCTTGGTTTTCTAAAGACACATCAAAAAAATTTTGCTTTATAAAAAAGATATCA  
ATCCCTTCTCCCATGGATTTCTTCTGTTCCAATCTATTTAGATCCTCCTCCCAATTGGCATCATCAGCAATCAA  
ATCATCATCATCATCCTCAGATAAGTAATAGTGATGGATCTCCTCAACATCAACACCTTCTTTCATTACCAA  
CTCAACAACTCTCGTCCGACCATCGTCCCATGTCGGTGTGGGTGTTGGTGTGGCTCGATCCGGCGTGGTTC  
GATGGCGGACCGAGCTCGGATGGCTAACGTACCACTACCAGAGACGGCGCTAAAGTGTCTCGATGTGATTC  
TACCAATACGAAGTTTTGTTATTTAATAACTATAGTCTCTCGCAGCCTCGCCACTTTTGTAAGAGTTGCCGACG  
ATATTGGACTCGTGGGGGTGCCCTAAGGAACGTCCCGGTTGGGGTGGCTGTGCGAGGAATAAGAAGAATA  
AAACTAGACGATCGAAGTCTCCAACGGCGGCAGCGACGATGGCGGGTGGAAATGAAAGTCAAGTGATGAAT  
AACAATTCAACTCTCCTACTACTGCTACAATTCCCTTGATAGTAGTGCTGAGAATCTTATTGGTCATTACAG  
CCTCAACACCCTCACCTTTCATTTCATGGCTTCGTTGAATAATTTTTCTCGATTCGGGACATCAAGTTTAGGGTTG  
AATTTCAACGAGATCCAGACTCAAATAACAACATCGGTAACGGTGCCCTTCTGAATCATCATCCGTGGCGGA  
GTTCCCAAACTTTCTCTCTCAGGTGGCTAGAAACCCCGCCAGGGTTGTACCCGTTTCAAATTAGCGGCGGC  
GACAACACAACAAATTCAATCCTAACACCAATTTCAAGGGGAACCCATTTGCCTCCAGTGAAGAATGAAGAAA  
CCCAAGTACTGAATTTGGTGAAATCATCAATTTGGGTATCAATAATTCTGAAAACAATCAATTTGGAGCAAT  
GCATCAATGGTTGGACAGATCTTTCAGCTATCAGTTCTACTTCAAGTGGCCATATTTCTTGTGACTTCAATCAT  
TAAAAGCCCCAAATTGATCAGATCATCATCTTCAAATGGCATCTCTCAGCTCACATCTTGTAGTAAGTTTGAT  
TTATATATATATCAACTTAATTATTACCAAGATTTAAATGGTCAAGTGATTTAATGCAAAATTTATTAATTAAGT  
TGAACAAATAAAGAAAACAAAAAAGAAGAAGTAAAAGCCCTCACTTGATCAATTAATCTCTTATTAATTA  
GCTACTTAGATCTTATAGAAAATAATCATATATTATAACACAAAATATCCCAGGCACTCTTCTACCTCTCTTCAG  
CCTCTTTGATCAACGCTCAGAACTGAATCTCCACGGTAGCTAGTTTGTGCTCTCTTTTATTTACCTTTTTTATTT  
TATACAAAAGAGTGCTTTGTAGAAATATTGTTTTTTTTTCTATTTCAATTTCTTTTCAGAATGTGTGTGACTA  
TGATTTGCTAATGTTTGTGGATTTAAATGGAAGAGTATTGTTTGAAA

>trans\_c\_249 NM\_111257|Arabidopsis thaliana ATAPRL5 (APR-like 5) (ATAPRL5) mRNA, complete  
cds

TTTTTTTTGGATATTTTAAGATTAATCAGCAAAGTCTCAGCTGGATGGATGTTTAAGGGAAATACTGTAATGGG  
TAATTTGATTTGACTTTTTTGGAGCTTCAAAAATCGTACCTTTATTTGGAATTTTAAAGAACAGAAAACCCAAA  
ATAATCCACAAAAAGGAGATCGAATCAGTTCTATCGGTTGGATTTTCAACAAAAACCTCCACCGCTGCCGCC  
GCCGCCACCTCCCAACGGCCACCGTATGACCCAGATAAAGAAGATCGAAGCACACCCCTTTTTTTAGAACTT  
GAGGAAACAAAACAATCTTTAACCCCACTTTTTTGGGGGTGTTTGTCTGTTCTATCACTTTTTTTTTTTGTTGA  
TTTTTCATTTCTGATTTATCCCTAGTTTTTCTTATCGATTTCTCTGTAATACCTTGTTTCTTCTCCTCTTCATCGG  
TTTTGTGGTTTAATCTCTTCTTCAAACATGGCTGCCTTTTCTTTTTGTCTATTTTCTTGCCATTTGCTCTTTAGG  
GTTTGTGTCTTCAACATCTCTTCTAGATCTTCAATTTGCCCCAAGAATCTGATTTCTTCTCTATGGTGTTTGA  
TCTCAATGCCCTTCTCTGCTGTTCCAGCTCGCCTTGCAGGTGGATGGGGATTACATTGATAGGACTTTGAC  
TTCTTATAAGAAGATCGGCTACACCTCTGTGTTCTTTTATGCGTCATGGTGTCCATTTTCTCTCCATTTGCGCCAC  
ACATTTGAACTCTCAGTTTCTTGTTCCTCAAATGGAACACTTGGTGGTTGAACAATCTCCACACTACAAAAT  
GTACTCTCAAAATATGGGGTCCACAGCTTCCCATCTATATTGCTGGTCAATGGGACATCACGTGTTCCGGTATCG  
TGGTCGAAAAAATATACTTTCACTTGTTTCGCTTCTATAGCCGAATAACAGGATTAAACCAATCCCGTACTATA  
ACAACGCCGAGTTAGTTACTATCGAGAGTGTTGGAAGGCCATTATCCAAGTGGCAAAGTCTTCTCACCAAA

CAACATATTGAAGAGTGATCCACTGTTGGCTTTCTCCTTTGTATTTCGTCTGTCTTCGTGTAGCAATGTTCAAATT  
ACCACACGTCCTGCACCAGCTGAACAATCTTTGTAGATCTTGCATACCTCATCTAAACTTGGAATATTTGGCG  
AAACACGACAACTAATGGGGCGCATTCTTCAAATGCTCGATATCAGAAGGGCGTGGGCCAAGCTAAGGCTAT  
ACAAGACAAAGAACATCCACAAGGGAGCAAGGAATGCACGTGTTTGGGCATCGTCTTTGGCATCTGTCTCGTT  
GGGTGAATCCTCGTCTTCGAGATCAACTTAGGTTCACTCAAACCTTGTAATAATGGAATTCAGCTTTTGATG  
ATAGAACCATCCTACTTTCTGATGAAACACAAGTATTTTCTTGCTATTAGAAGTAATGGAGAGTAGTAGTTAG  
GCTTTTTTGATTCTCTCTGAAGGCATGTATAAATTGTTCTTTTTATATTTGTATAATTAATAATATTACACATT  
GCACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_250 XM\_002876427|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATMBF1B/MBF1B, mRNA

AAGCTATCTAGACATTTTTATATCCTCCGATTAGAAACCTAATTCAGATTCTCCGTATTACCCACCCTGGAACA  
TCTTTGAAACGCGAAAAGGTGACCCGAAGAACTTGAAATGGCTGGGATCGGACCCTTTCACAGGACTGGG  
AACCGGTTGTCATCAGGAAGAAGGCCCCCAACGCCGCCGCAAAGAAGGATGAGAAAGCTGTTAATGCTGCAC  
GCCGAGCCGGGGCGGAGATTGAAACCATAAAGAAATCTGCTGCTGGGTCAAACAAATCTGCCTCTAGCAGTA  
CTAGTTTGAATACTAGGAAGCTTGACGAAGAGACTGAGAACCTTCTCATGATCGTGTCCCAACTGAGCTGAA  
GAAAGCAATTATGCATGCTCGAACAGAGAAGAAGCTTACTCAGTCTCAACTTGCTCACTTATTAATGAGAAG  
CCTCAAGTTATCCAGGAGTACGAATCTGGAAGAGCTATTCCGAATCAACAAATAATAACCAAACCTTGAGAGAG  
CTCTTGAGCAAACTGCGTGGGAAGAAATAAAGAGATATGGAAGTTAAGTATGAGTTCTACGTAAGCTTT  
TGTTTGAACCATGCTAAAAAATTCATACCCTACCGTGTTCAATGTGTAATTATGTTGACCATCCTCGTATTC  
CTGTATAACCACTGTTGCAGTGTCTTTGGTATGTTCTTACCTGGAAATAAATAAATATTGTGTCTGTCATGTTGC  
GTTAGTTTCCAGATGTTTTGGCTACACTTATCACATCAGAAGTTGGCTTTATTTGAACTTAATGGCTGCAGCCAT  
GACAATTAACAATACAGCAACTTGTATGGAGAGCGTAGGGTTGTCGTTTCATAGTTGTTTCTGAACATTATTTA  
TATTATCGATGCCCATGATGCAATTTGAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCA  
AAAAAAATAAAAAAACCCCAACCCAAGGGGGGGGCCCGAACCCAAATCCCCCAAAAAAAAAAACCAAAAA  
CCCCCCCCCAGGGGGGCCCTTTTAAAAACCCGGGGGGGAAAAAACCGGGGGTTAACCAATTAACCCCTTT  
GAAAAAACCCCTTTTCCCCAGGGGGGAAAAAAACCCCCCAACCCCTCCCAAAATTGCC  
CACCCCAAAAGGGAAGGGAACCCCCCTGAAGGGCCAAAAAACGGGGGGGGGGGGGGTTAACCCA  
AAAGGGAACCCCAATTTTGGCGCCCCCTTACCCCCCTTTTTTTTTTCCCTTTTTTTTCCCAAAGTTAC  
GGGGTTTTCCCCGAAAAATTAAGGGGGGCCCTTAGGGGTTCAAATTAAGGGTTTTCCCCCCCCC  
CCCCAAAAAATTTAAAGGGGGAGGGGTCCCAGGGGGGCCACCCCCAAAAAAATTTTCCCCCTT

>trans\_c\_251 DQ306835|Hevea brasiliensis isolate SSH106 mRNA sequence

AGAGATAAACCTTCCCGTATTAGCCGCAACAAACACAAACCTTCTCTCTCGGTAATCTCAACTCCGTTTTCGG  
ATTATATATATAAATCCTTCATATCCCACTCTTCTCTCTGTCAATTCTACACCTTCGCTGTCTTCTCCACCATG  
ACTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCACTTTCTTTTCGTTTCTCCGAATCCGCGCGGTTGGGTGGTGGGAT  
TGGATTTGATTTTGTGTCTTGGGGACTGAGATCTGTTCTTGATTCAAGAGGAAGGATTAAGGATGAGTTA  
TTATAATCAAGGTCAGCTCCGATTGGAGTGCCTCCTCCTCAAGGTTATCCACCAGAAGGTTATCCGAAGGAT  
GCTTATCCGCGCCTGGATATCCGCCGAGGGGTATCCTCCTCCTGGTGCTTATCCGCCGAGGGATATCCTCC  
GCCTACGCTCCTCAATACGCTCAACCTCCTCCTCAACAGCAAGTAGCGGTCCTGGTTGCTTGAAGGCTGTT  
TGGCTGCGTTGTGCTGTTGCTGCTTGCTGACGCCTGCTTTGAAGAGAACCAATTTGTAATGTGGCTGTGCCT  
TTCGGACATTTCCCCTAAAGAAAAAAATTAATGAACAAAATATTTGGAACAGTATTGGATTTGTCAATG  
ATTTGGCCTTCGTTGTGAAGCTTTTTAAATTCCTTGCGTTTATTAATTATTATGTAGTCTAGTGTGTTGTT

TCTTCCTTCTCTTTAAATTTTCTTATATAAATAACCACCATCTCTCCCTCTCTTACTCTCTTTTTTGGGTCTCGAC  
CCAATATTTGTCTGCTCCATTCATTAATGGCATTCTCTGAATCATCTCTGTTATTCACCTATGGTTTTAACCTT  
CCTTCTTATAAAAAATAATCCCTCTTTTTTCTGTTTCATGCTTCATGGAAGCACAGATATTGGTTCAGTCGATCT  
TTTTAACTAGAAAAATCAATTGAAACCAAACCAAGAAGAGTATACATAGGAAGAAAAATATTGGAAGGTTGA  
CGGGAAGTAAGAAAAGTGAGGTACAAATTATTATAGGGTATGTATGTTGGGAAAAATAGAAATATTTAGTCC  
CAATTTTGAGTTCTGAACTAGTAAAAGATACCCATTCTAAGCAAAGTGAAAGAAAATTGGAAGTAGAAAAAA  
GGAGACCAAAATCGATTTTCATTGGCTTGGTTATTCTTTAAAAATAGAATCAACTTTAATCTCTACATACTCTTTC  
CCGAAAACATAACATTTAATTAATACTAATCTTAAAAGGTTATTTTGATAGCGAACAGACAAAAAAAATGAAAA  
TAAAAATTGTATATTGGTATTTGGTGGTTAGAAGCACTTTTGGCCGTGCGCGACCCGTCGGTGGAGGGTATTG  
TGGGATTGAATGTTACATTGGTGGCTCCACAGCAAAAGTCTCAATTGCTGGCCTCTCATGTCCCACTCATATGA  
ATTTCAACACTACCGCCACCTTCCTTTTAAACATTTTGTGTATTTCTAGATAAGTAATTTAGTCTTTATACT  
TTTCTTTTTTTAATCTCAAAAAATACTATGAAAG

>trans\_c\_252 NM\_001036355|Arabidopsis thaliana glycosyl hydrolase family 17 protein  
(AT2G27500) mRNA, complete cds

ATTTTACTCCCCGGCGATTTTCTATTTGCTGATTCACGGCCGTGCCGGAGGCGGACCCGACGGTACGGTGGT  
GTTTTGTCGCTTTGGCCTTATCTTTCAATCCTTTATGGCTAACTCCACCGACTCTTCGAGTTCTGTTGATGCT  
TTTCACTTTTTCAGGTTTCAGTAATTCGAACACTGAGCGTTGGAGTTGGAATTAATGATGATGATGATGATGAT  
ATCTGCCGTCTCCATCGCGCGTGGCTATTCTTCTCAAAGTTTAAACATCAGTAGAGTAAACTTTACGATGCA  
GATCCTAATGTTCTGTTTGCATTCTCCAGGAGTGAAGTAAATTTCAATTATAGGGCTTGGTAATGAGTATCTCCA  
GAACATGTCTGATCCTCAGAAAGCCCTAGCTTGGGTTCAACAACATGTTCAAACACACATCTCACAAACAAAA  
ATTACTTGCATCACTGTTGGCAATGAAGTTTTCAACTCTAATGATAGCCAATTAAGGTCTAATCTTCTCCTGCA  
ATGCAATCTGTTTATAATGCGCTTGTTAATCTTGGGCTGGATAAACAGGTTTCTGTTACCACGGCTCATTCTCTT  
AACATATTAGGCAACTCTTCCCTCCGTGCGCTGGAACATTCAAGCCGGATCTCGCTGAATACCTACAACCGAT  
TCTCAATTTCCACTCCATGGTCAAGTCACCTTTTCTTATAAATGCATATCCTTTTTTGCATACAAGGATAATCCT  
ACCCAAGTTCCCTTAGAATATGTGCTGTTCCAGCCTAACCAAGGAATGACTGATCCCATTACAAATTTGCATTA  
TGACAATATGTTGTATGCTCAAATCGATGCGGTTTATGCTGCCATCAAAGCCATGGGGCATAACAGATATCCGG  
GTTTCAGATTTCTGAACTGGTTGGCCATCTCGAGGCGATCCGAATGAGGTTGGTGTACGCCAGAGAATGCA  
GGGTTGTATAATGGTAATTTGCTAAGAAGAATAGAGAGTGGACAAGGAACCCAGCAAAACCATCGGTTCTCT  
ATCGATATCTATGTTTTCGCTCTATTTAATGAGGATTTGAAGCCTGGTCCAGCATCTGAGAGAACTATGGTCT  
TTACTATCCTGATGGCACACCAGTTTATAACATTGGATTGCAGGGGTATCTCCAGAATTGTTATATTCATCGTC  
CAAAAGGAATGTTTTCTCAGTTTTAAGTTTGCTTCTGATATTCATAGCGTATGGAATCTACACTTAGAGGTATA  
CCGAGTAATTGATAGAAATCTTATTCATAGCACGAGGAGTCTTATAGAGGAGAGTCCATACAGATCACTTTC  
AGCTGCTGCACTTAACCAACATCTGTATTGTATATTTACTTCGTATCCCACACCGATTTGGTTCATTGGATGAA  
TTTTTTGTAGTTTAACACATCAATAAAGTATTAATTATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_253 XM\_002882568|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat  
family protein, mRNA

GACGATTCCTGAAATTTGTAATTCACATTCATCTATCATCTTCATTTACTTAGGGCTTCCTTCAATTCCTG  
AACGGCTATGGCGAAAGATGGTCCCAACTGGGATGGGTTGCTCAAATGGAGTCTCGCTCACTCCGACGGAAC  
TCGCCCTAATCGTAATCTCAGCGAGGAGGACCGGAGATGGTTTATGGAAGCAATGCAAGCTCAGAGTGTTGA  
TGTTGTCAAGCGCATGAAAGAGATAACTCAAGTGATGCAGACTCCTGAGCAAGTCTTGGAGGCTCAAGGTGT



TGGTTCAGAGGATATTGAAGATATGCTTGATGAGCTACAAGAGCATGTTGAGTCGATTGACATGGCCAATGA  
CCTTCACTCTATTGGTGGGCTGCATCCTCTTCTCGGATATCTCAAGAATTCCCATGCAAATATTCGAGCCAAAG  
CTGCAGAAAGTTGTGACCACTATTGTTCAAAATAATCCACGAAGTCAGCAACTGGTGATGGAATTGAATGGTTT  
AGAGTCGCTTCTCTTGAACCTTTACTTCGGACCCTGATGTCATTGCTCGGACCAAGGCTCTTGGTGCTATATCCTC  
TTTAATCCGACACAACAAACCTGGTATTGCTGCATTCCGACTTGCAAATGGTTATGCTGGCCTGAGAGATGCTC  
TTGGCTCCGAGAGTGTAAGATTTCAAAGGAAAGCCCTTAACCTTGATCCATTACCTGCTGCATGAAAATACTTCA  
GACTGCAACATAGTGAACGAGCTAGGATTCCCTCGAATTATGCTACACCTTGCATCCAGCGATGATGCTGAGG  
TACGGGAAGCTGCTCTTCGTGGCCTTCTTGAACCTGCCAAGGACAAGACAGGTGAGAATGGTGGAGGGTTAG  
GTGAAGACGACGACAAGTTAAAGAACTTCTTGAGGAACGGATAAAGGATATCAGTTTATTGTCACCTGAAG  
ATCTTGGGGCAGCTAAGGAAGAAAGGCAGCTTGTTGATTCACTCTGGAACACCTGCTACAAAGAATCATCATC  
TCTCCGTGAAAAGGGTCTTCTTGTCTTCTGAGAGGATGCACCACCTCCAGATGTTGCTAGTAAGCATTGTTG  
AACCTCCTCTGAGAGCTTGGTCGGGAAGGCCTCCGGCTGATACAAGTCCTAAACTGAAAAGAAAGAAGCTC  
CTTTATTGCTGGGCTTAGGTCTGCACCTGCACCTGCACCTGCACCTGAGGCTCGAGATGTTACTTCCAGTTCT  
GCAGCGAATACGAATGAAGATCCAACCTTCATAACTTAGGCTGTAAATTTACTAATTTCTACACCTGTTCAATGG  
TTTTGCTTTCTCTCTTTCTCTCTGGCTAGAAGACCGTCATGGTTGAACTTACACAACAACCAAGGCTGTTGAT  
GTCAAAAACACCAAAAAGGTAGCAGCCTCACAACCTCCCTCCTCTGTAGTCAAGGGTGTAAATGTAGATTTATGC  
CATCTTTGAGATATTTATTACCAATTTCAATGCGATGGAATTCTATTTTTGTGATAAATTGGATTGAGAATGAAA  
AGCTCAGATACTGTGGAAGTAGAAAGAATGTCAGACTAGAGCGTCGGCTAGATATT

>trans\_c\_254 XM\_002867281|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WD-40 repeat protein family,  
mRNA

ATGAACTTTAGTAATAATAAAATACCCCTAAACCTAATATGGCCGGACCGGCGTCTCAAAAAGTTAAATTCGGA  
CATCATTCATCATTTCAATCAAGCTCCCCTAATAAACCTAACAATGGCGATCCTTAGTCCCCAACAGCAACCTC  
AAATCCACAGGTTCCCGCAATTCAAGTATGTTGATGGTGTTGTTGGCTTCCACCACTCTCCGCATTTACCCGG  
TTTGCCGTAATTGCCCTTTTCGACTCTGATTTTGACTCATCCTCCATTGAAATTCACTCCTTGACTCAAAATCCAC  
TGGATATAGCTCCTCATTCGACATGGGTTTCACCATCAAGAGTATCTTCACTTAAACCTCTCAACTCCACCAAA  
ACCCTCTTGTTTTCGCTTCGACTTATACAGGTTCTTTCATGTTTTATCTGTGCGAGCCAATGGAAGCGTCGCTCG  
ACTCGGAGCTTTGGTGCCGGAGAAGATGTTGCACGACGGACCTATTTGATGTGTCGATGTGATGGATAGTG  
GAGGTGAGTGCCTGACTGTTTCGGAAGATGGACGGGTGAATTTGGTGAGCGTTGGGGAATCTGGATTGAATT  
ATCGTCGGATATTTGATAGTAATGGGTTGGTGTCGTATAACGCGGTGAAATGGGCATCACCTACTGAGTTTGT  
GACTGGTGGTTGTGGGTTTAGCTTGCAATGGTGGGATCAGAGGAAGCCCGGTGGAGCTGTTTCTAGTTTAA  
GGCCGATTGGGCGTCTGGTATAGTTCACTGCATTGATATCCATCCATCGCGAAAGCATACTTGTTTGGGGGCT  
CTTTTGGTACTGTCTTTGCCTGGGATTTGAGGTCACAACAGCAGCCTATCATTCTTTCGGGTCTAGAAGGGACC  
AAAACATCAAATCCTTCGCCATGTGAAAGTGAGGTTTGGGAGGTTCACTATGATCCTTATATTAAGTCTGGCA  
ATCTAGGTGGCATGTCATCTACACAGATTTTACCTGCTATGATCTGCTCTGAGGACGGGATTCTAACAAGTATT  
GAGCAAGGCAAGGAGCCTGTGGAAGTCTGGCAGAACCATGTGCAATTAATGGTTTCGACATTGACCGTCAA  
CATCCATCAGAAGTAATATGTAACCTGGAGCGGGAATCCGATGCCATCCTCGCAAGATCTTGATTTTCAGAATC  
AGAAGTCATCGTTTTCTAAATTCAGGTTCCAATCCACTATATAAATTCCTTTAACAATTTAAGAAGTATCCTT  
AGCTTTCTATCTTCTAGCTTCTGCTTCCATTGAGTGCATGCAATTTCTTAGTTTTAGGCTCATGTAAATTTGG  
CTGTAGCTTTGTTTGTGTTTACCACATAATTGGAACCTCAATTTTGATATGAATTTTCTTACTGGTCAGAGACCATAT  
TAGGGGGATATTTATGATGTTGTTTTGATTTGATTTTATATGTATTTAACCTGTTCTCCATTCAACTCCTCAGCT  
TGTCGCTTTCATTTTAATTTTTTATACCAAATAGAATAACTTTTTCTCCAATATAATTTTACACAATGTAAAT  
ACTTAATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_255 AF202182|Glycine max 2'-hydroxy isoflavone/dihydroflavonol reductase homolog (DFR1) mRNA, partial cds

ATTAATTTTCATCATCCGACTTTGGTTTCCAAATACCATAGTTTAGACGTCTTGTCTTTTCGATCGGACTGTCA  
AAGCCATAAACATCCGCTTATTACTGCAAATCTGTTTTGTCATCGTCGAAAACAACGAACTGTATTTTGATTCAA  
CCATTAGCCCTGTTCCCCAAATCCGAAATAGCTGTTTCTAACAGAATAGTTCTTTGAAGTGTTTTTTTACATAT  
ATTTAATCTCTTGGGGGTGGGATTATGCCATTTACAAATCGTTTATACACAGAGTAGAAATCGAGAGAAATGG  
AAAGTGC GGCGAAGGGGAAAGTTTGTGTAAGTGGAGGTACTGGATTGTAGCTTCATGGCTGATCAAGAAGC  
TTCTTGAAAATGGCTACTCTGTCACTACCACTGTTAGAGCCGACCCAGAGAAGAGAAAAGACTACAGCTTCTT  
GACAAATCTACCCGGAGCATCAGAAAAGCTGCAAATATACCAGGCTGATCTTCACGACCCGAACAGCTTTGCT  
CCTGCCATTGCAGGTTGCATTGGAGTCTTTCATCTTGCTACCCCAATTGATGTGGATGACAAAGAACCTGTGGA  
ATCGTTGACGAGACGAACGATTGAAGGAACATTGGGCATCCTTAACTTTCTGTAGATTGAAAACAGTAAGG  
CGAGTTGTATACACTTCCAGTGCGGCCACCATGCAGTTTAATCACCATAAAGTAGACTTCTTGGATGAGAACT  
GTTGGAGTGACATTGATTATATCAATAATATTGCACCGTTGGGAAGATCATACCCGATTTCGAAGACTTTAACC  
GAGAAAGCAGTTCTCGAGTTCTCTCAGCAATATGGATTAGAAGTTGTCACTGTCTTCCAACGTATGTCGTCGG  
TCCCTTCATTTGTCCTAAAATCCCCGGCTCTGTTCATGTGATACTGTCTCTGATATTAGGTAATGAAACAGAGTA  
TGGATTGATCTTGAAATCAAACATGGTGCATGTGGATGATGTGGCAAGAGCACACATTTATCTATTTGAACAT  
CCGAGTGCAAGTGGGCGATATGTTTGTTCTTCTACATAATCACATTGGAAGAATTGGCTAACTTCTTTTCTGC  
CAAGTACCCAGAATTCAGATACCATCTCCTGAGTCTTTGAAAGATGTCAAAGGCTACATATTCACTGATGTCT  
CATCAAAGAAGCTTTTGATGCTGGTTTTCAATACAAGTATGGTATCGAAGAAATGCTTGATGGAGCAATCGA  
AAGCTGCAAAGAGAAGGGTTATCTCTAGCTCGTGTTTTTGTATTATTATATATGAAACAAAGGAGAAGTAAAC  
ATGGAAATAATGTTGATCAAAGTTCTTGATTGCAAAGTTTGATGTGGTTAATTTCTATAGGCGCTTTGGATGAT  
ACAAAATTTGTATGTTACAATTGGCTTTGAAGTAGTACCTATTTCTGTTTAGCATAGTCTGTTTTCTTCTGAAAA  
CATACGTATTTTTATTAGTGATGGGTTCTGAAGCATGGAAGTCTGTGTACTTCGAATTTATTTTTATACTGATC  
CTCAGTCTTTGAAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_256 AF196288|Medicago sativa subsp. x varia Ser/Thr specific protein phosphatase 2A B regulatory subunit alpha isoform mRNA, complete cds

ATTCCATCACTACGTCTACAAGTGGTAACTAGCCACGAGTCAAGCCTTCTTGCTAGATGTCGTAGGGTATATGC  
CCATGCTCATGATTATCATATCAACTCTATCTCAAATAACAGTGATGGTGAACTTTTATATCGGCTGATGACCT  
GCGGATAAATCTATGGAACCTGGAAATTAGCAATCAAAGTTTCAACATTGTTGATGTGAAGCCTGCTAACATG  
GAAGATTTAACTGAGGTGATTACATCTGCCGAGTTTACCCTACACATTGTAACATGCTAGCATATAGCAGTTC  
AAAAGGATCAATCCGCTTGTTGATCTGCGGCAATCAGCATTATGTGATTCTCATGCCAAATTATTTGAGGAGC  
CTGAGGCACCTGGTTCTAGATCGTTTTTTCACAGAGATAATTGCTTCAATCTCGGACATTAAATTTGGGACAAAT  
GGAAGACATATATTAAGTCGTGATTACATGACTCTTAAGTTATGGGACATCAACATGGATTCTGGTCCCGTTGC  
AACCTTCCAAGTTCATGAATATTTAAGACCCAAGCTTTGTGATTGTATGAAAATGATTCAATCTTTGATAAGTT  
TGAGTGTTGTTTGAGTGGCGATGGATTGCGTGTAACACGGGTTCTACAGCAATTTATCCGAGTTTTTGGTT  
GTTCTCCGGGAAGCACCGAGGCAACAACCTTTGGAAGCTAGCAAAAACCAACTAGGAGACAAGTGCAGACCC  
CTTCAAGACCTTCTAGATCACTTAGTAGTAGCTTTACAAGAGTTGTGAGACGAGGTGGATCTGATAGCCCAGG  
GGTTGATGCAAATGGCAACCCATTTGATTTCACTAAGCTGCTGCATCTAGCATGGCATCCGGCTGAAAAT  
TCAATTGCCTGTGCTGCCGAAACAGCTTGTACATGTATTATGCATAAGAAGAGGAGCTGAGAATCAAATGAC  
ATCATCTGCTTAACCGTTTTGACTTTTGTGCGTAAAAGTACTATCCTTTCTCATCAACCCTTAATCACCGAAGCT  
ATATTTATCGACTTCCACATGCCTCCAATATCGGTGCATACTTCTATTACTGCAGGGGTCAAATTTCCACAAGA  
AAAAAGAACATTGTTTATGTTCTCAGGTGGGCAACATTCCTTTTTCTTCTTTCAACCCTATAATTATCTT  
TTTATTTCTCCATAATCCTTTCTTTGCTTCCAAAAGAGAAGAGATTAGTTCTGTTCCATATTTTGTTGGGTTGA

AGTTGGGGAATCTGATCGTAGCTCCCCTGCAACTAACTACTGAAGTGTTGTTGCTCAATATCTTCTTCCACT  
AGGTTTCGAGATTAACAAATGTAGTTCATTTAGTTAACTTCTAAAAGTTTCGGTGGGAAGAAGCTGTAAATCTT  
GCAGTACATCAAATTATTTTTTCAATTGATTCATTGTCACCTCAGAAATTACAACATCGGGATGTTTTCTTCTTC  
TTCATAATTTATTACTGTAGTTTTATGTAAAGAACAGTTACATTGAATGTAGCATATATATCTATGAATATTTTT  
GCATGCCCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_257 DQ335595|Coffea arabica R111 mRNA, complete cds

ACAAAAATATTTATGGATATTCATGTGTAGATTCTTCATTCTTCATCAAAATTCAATCTCATCAAAGAAACCTG  
TCCCAGCAATTCATGGTGAAGAAGATTGTGAGCAATATGATCTCTAGCTTGAATCGCACTCACCGATCTCAAC  
CCATTATTTTCCGGCAACATTTTCATCATATAAACCTCAAATCTCAGCTCCGGATCGAATTTCTCCTTCTCATTT  
CACATATATTATGAAGAACACAACAAGCTCCCAACACCACCGGCAACTCCTGCAGTTTCACCTCTGTTCTTTTCT  
GTAAACAAGTCCACCGCCCTTTCAACCGCCAAACGCCGCTTCGCTGCCGCTGAATCTCCCAACTTTCTCAT  
TAAACCCATGTTGTGTCCATGTCAAATCTGTACTGTATATGGAACATAACAACCAATCCATTAATGGGTACCTT  
GAATTTCCGACGACGAACACATCGTTCAATAACCCATACTTGCCCTTCGTAAAGCAATGATTTCTCAAGAAC  
TTGATCGTCCGGCATAGATCCCGGCCATCCGATGCAAACGTCGGTGAATACTCCGGAGGGATCGACGACGCC  
TTGAACAGTGATGGAGTACGAAGTTTTTTGGTTGCGTTCTGTGTGGCGTTTGTTGAAGTAAGCAGCTACGTT  
GTTTTTGGTGCGATTATTGGGATATGTGTTGTGTAAATTGAACCACCACTTTGGGAATTCCTGAAATCGATT  
CGAATTCCTGTTTGATTTTGGTTAATTTGATTCATCTGGCCATTGGAGGAATTTCCGGCATTAGAACTTTACGAA  
TCGCTGAACAAACTTCAGAACTAATTTATGGCAAGTTGAAATCCCTAACCCAAATCTTTTCGAAACTAATCGG  
AGTGGCTCTCCGGTAGCCAATCGCCATATACAGACTGCAACACGCTGCCGTACCGGAATCGCAACACGAAGC  
ATTGTGTCTTTTTTCATCACCGTTGAATCCAATCTTTACAGATCATATCGAATGTGGATTTACTCATACGGAAT  
GCTCGTCGGAACTCCTCATCGGGAAAATCCGGGTGGTTGCATTGATCCACCAATCCTTGGATCGGTCTTTCAC  
CCATAGCCGTCGCTGCTGAGTTCCTCCACCACCGGCGGGTTATTTTTACCGGAGAGGGATTTCCGGCGAT  
GCACGGCGGGGTTTTTTGGGAATTTGATCGGAGAGATGGAATCGTTGGTGGGTTTTGGTTTTTGGGAATCC  
ATGAGCCAACTTTGTGGAGATTGGGGTTGGGGATCGAACCAACAAGGGAGTTTTAGTAGTGGGTCATCAGTA  
GGCTCATCGTTTTTCATCAGTGAAAGAAAAATTGTTGAAGTCATCGGAGTTTGGGTCAGATCTTCGCCGTTTTT  
GGGTGTTGGATTACATTGAAAGGGGTGGTGGGATTATTATCCATATCGGAGAAGAGATTGAAGATAGGTAA  
GAATTCCTCTTGATTAAGAAATGGGAAGAGGAGATTCCATGAAATGGAAGTGGGTATGAATGGATAATTTT  
GTGTTGAGCAAATGTGAAAAGAGAAGATGGAAGTCAATCCGCATCGGT

>trans\_c\_258 EF447217|Solanum chacoense ovule receptor-like kinase 28 (ORK28) mRNA,  
complete cds

AGACCATTGACGGATATTGAAAAGCTCGACAATCAACCCTTGCAACCTCTTAAATGACTGCGGCACAAGAAA  
CAAAATCGGAAGATTCTCTCCACATTTTATCCAACATCATTTGACACTCCTGCTGCAATTAATCTTAAACCCC  
CACCTATTGATCGTCAAAAATCATTTGACGAAGATAACTTTTCAAACGAGCCCCAGTCAAGAAGGCTAGTGC  
TGCAGTTTCTATTAATGTAAAGTCGTATTCAATAGCAGACCTTCAAATGGCGACAGGCAGCTTTAATGTTGATA  
ATCTTCTTGGTGAGGGATCGTTTCGGACGCGTATATCGGGCTGAGTTCGATGATGGAAGGTTCTTGCCGTGAA  
AAAAATAAATCCATCTACACTACCTCGGGAATTATCCGAAGATTTCACTGATATTGTTTCTAAAGTCTCCCAATT  
ACACCATCCCAATATAACTGAACTTGTCGGTTATTGTTTCAGAGCATGGGCAGCATTGCTTGTGTACGAGTTCC  
ATAGAAATGGCTCGCTTTACGACGTCTTACATCTATCACTATCAGATGAATACAACAAACCTCTGATATGGAAT  
TTACGTGTTAAGATTGCTCTGGGAACAGCGCGCATTAGAGTATCTTCACGAAGTTTGCTCCCCATCGATCGT  
TCATAGAAACATCAAATCTGCTAACATATTACTGGATGCCGAACTCAGCCCCATCTTTCTGATTCTGGCCTGG  
AAAGCTTTATACCAATACAGATCAGGCATTGGATGGGAGTGGAAGTTCAGGATACACTGCGCCGGAGGTTA  
CCATGTCGGGCCAATATACTCTAAAAAGTGATGTGTATAGTTTTGGAGTAGTCATGTTGGAAGTCTGACTGG

ACGAAAACCATTTGATAGTTCAAGGCCAAGGTCGGAGCAATCTTTGGTTTCGATGGGCAACACCTCAGCTTCAT  
GACATCGATGCTTTAACCAAGATGGTTGATCCCGAACTCAAAGGCCTTTATCCCGTTAAATCTCTCTCCCGATT  
GCAGATGTAATTGCACTTTGC GTTCAGACGGAACCTGAGTTTAGACCTCCAATGTCGGAGGTGGTCGAGGCGT  
TGGTCCGCTTGGTGCAACGAGCAAACATGAGTAAGAGAACATATGGAAGCGACAACGCAACCTCTCCAGAG  
GGGAGATGGGGTGGAGAGGACACACCATAAACAAAGACAAAAGTTTGATCCGTAAGCCCCAAAATCTCTCT  
TCGTTACCTTCTTCCTTGAGATTACTTCTTCTTCATATTTAAATGGGGTGGAAACCAAGGAATTGCGATGGT  
AATTAATAATGTATGTCTGTTAATATTACATGTCTGGTCTTTTAGGTCTTTTCATACTCCATAGGCTTTTACTT  
TTTCTTTTAGTATTTTGATAGAAGAAAAAAGAAAGACTTCATTTCAACATACGTATATTTGAAGAAATA  
ATTGGCGAGTTTCGGTTTTTACTTTGTATGAACGTTTTGTTTGCTTTTGATGATCAATTTATTATTTATTATTG  
TTTGAAATTTGTTGAACAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans\_c\_259 NM\_106035|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT1G73760) mRNA, complete cds

AAAAAGTTTGATTAACTAAAGTTTATTAAAGTTTTATGCTTTTCTCTCTTTCAACTCAATTTCACTTCCACTCTAT  
TCCCTTTGTTTCACTTTCTCTTCTAAAAGCCTTTGTTTTTGTTCCTTTCTTCCATTCAATTCCTTTCTTCTTGTCT  
TATTCTTCTTCTTCTTCTCTTCTCAGGTTCTGTCCTTACATTCTAATCCTTGTTTAAACATCATGCCTGTTGTTACAG  
TTGGTGAACACATGAAATTGAGAAGACCCAGAAGTGATTTGAGCCATTTGAACCAACCCATTTCAGAATCAGA  
TCCGAACCCATCAATTCCTTCTATAATTCAATCCACTCGTTGCAAATCCACCATTCTTCTCTTCTTCTCTCTACTT  
TTTCCAATAATACAACCAAGTGGCCCCAATGAGTCTTACCCTCATCCATTATCACCACCAATAGGAAGAAGAAC  
AATTTCTCTTCTGCAACTCTCCGGGGTCTCGGTTGTACCACCGCCGCTTCTCAACAAGTATCTGTTCCGGCTGTA  
ATTGCAACTTCAGCGGATTGGGAGAATAAGAAGACGAGGAAAAAAGCAGAAAAGCTCTAAGAACAAAAC  
CCAACAAGGAGTTCTTGATGCTTCTCATTTTCAACCCAATTCGAGTATGAACTCTGCTAGCTGTTTAGACGCTCA  
AGATGTTTGGTGTGGCCCTGGAATTGGATTCTCAGCAGATGCGGCTGCTTCTGTGGATTGTGTTGTTGCTAGA  
AGACATGCTTCTGGAAGAGGAAAAATCGATTTGGAGAAGATTAATCAGAGGGAGCGTTCTTGTGTTAGGAAGG  
CGAACAGTGAGCCCCGAGACCCTCTTATTTTTGGATTCTGATTCTGATCTTCCAAGTCTCGATCATTGGAAGT  
ATCTAGGACTCGGTATTATCGCCATGTTTCGTCATCCATCCCCTGATGGCCTTGCTGAGATCATGATGTTTCAGA  
GCAGTTTGCTAATGGGTGGAAGGTTTCGATCTACACGACCAATTTAGAGAATTACGACTTGATGTGGATAACAT  
GTCGTATGAGGAGCTGCTTGAAGTTGGCGAAAGGATCGGCCATGTCAGTACCGGATTGAAAGAAGATGAGAT  
AGGAAGATGTATTAGAAAAACGAAACCCCTGTAGTGAATGAGCTAACAAGTCAATTTACTATCTCAAATGGAT  
AGGAAATGCAGCATATGTCAGGAGGACTATGAGGCAGATGATGAAATGGGTAAGCTGGAATGTGGGCACAG  
CTACCATATACACTGTATAAAACAGTGGCTTGCACAGAAGAATACGTGCCCGGTCTGTAAGACAGCAGCAGTG  
GGCCGAAGTTGAACGGTTAGTCCATCACGTCTAGCAGTTCTTCGACTCTGTCTGCTTCTTCTCCCCTATGTG  
GTGTATAGATTTCAATGCCTTTTACATGAGCAAAAGCATTCGTTTCATTTGTGTGAAGCTTCCCTATCTGCATAT  
TTAGATATGATGGGCGCCATCTTCTTGTCTTTCAGTCTCTAAACATTTTCATGTGATGGTAATTTTGGATTGACT  
TGATTGCATAGCTTTAAGAACCTAAAGTACAATGTCTT

>trans\_c\_260 AY052716|Arabidopsis thaliana AT5g01340/T1008\_50 mRNA, complete cds

GAGCTCCAGCCTTTTCTTCCACGGCTGCCATTAACGTCGCATCTGTAAGCTTCGTGGTGTGATTACCCACG  
AGCTGTAAGCAATTAGAAAAGTATCGAGCATAAAATCCCCAAAATGGCGGTTGAGCTTCAGTAACAACACAAT  
ACGAGTGGAAGGTGAACGAGGAAAGAGCGACGATCGAGGGTTTTAGAGAGTGGAAGAAATGGAGAATCAGG  
AAGCTCGTCGGTGAATAATGAACTGAGTTTCGACGAAGAAATCGATTCTCCGTACATGAAGGCGCTCTCTGG  
TTCTCTCGGAGGGGTAATGGAGGCTTGTGTCTACAGCCGATTGATGTTATCAAGACTAGGTTGCAGCTCGAT  
CGGAGCGGGGCGTACAAGGGGATTATTCAATGTGGAACACGGTTACGCGAACGGAAGGAGTTTCAGCTCTT  
TGGAAGGGACTGACTCCCTTCGCTACGCATCTGACGTTGAAATATGCGCTTCGTATGGGGTCCAATGCGGTAC

TTCAGACCGCGTTTAAGGATTCTGAAACTGGAAACTCAGCAATCATGCTCGTCTGATTCTGGATTCCGGTGCC  
GGGGTTTTGGAGGCTCTCGTCATTGTTACTCCATTTGAGGTGGTGAAAATTAGATTGCAGCAGCAGAAAGGAC  
TGAGTCCTGAGCTCCTCAAGTACAAGGGTCCAGTGCACTGTGCTCGAATGATTATTCGAGAAGAAGGCCTCCT  
AGGACTTTTGGGCAGGTGCTGCCCACTGTTATGCGCAATGGTACAAACCAGGCTGCCATGTTTACTGCAAA  
GAATGCTTTTTGATATTGTTCTTTTGAACAGGCACGAAGGAGATGGAAACGTCCTCCAGCCATGGCAGTCGA  
TGGTATCAGGATTCTAGCAGGCACAGCGGGCCCTTTGTGCACCGGACCTTTTGTGTTGTGAAAAGTGGCT  
AATGGCCCAGAGCCGAAGCACAGGTGAACTCAAGTACAAAGGCATGTTCCATGCTATCAGAACTATATACGC  
AGAAGAGGGACTTTTTGCTTTATGGAAAGGGCTGCTGCCTCGACTCATGAGAATTCCACCAGGCCAGGCCATT  
GTGTGGGCTGTGGCCGATCAAATCATTGGCTTGATGAGAGAAGGCATCTTCAAGATGCTCCCATATAAATAC  
TAGGCACATTTTTGGCACCGTTTTACAAAGAGTCCACAACAGGCACCACCTTGCTCAAGATCTATTCAATGGAT  
TGCCTACCGTGTCTCGACTTCTGAAGTCCACACCTAACCAAATGGACTCCTTATTGTCTCTTATTGTCCCTT  
ATTGCACGCTTCATTTTCTGTCTGTTTCAACCATCGTCCAAATAACCAAAACACTTTGCGCCTCATGACATC  
AAATGGATCAAGTTAGGAGACATAGCAAAGTACTTTTAGACCGATAGCTCCTTTGAAATTTACCGCCTGAGTT  
GTGCTTATTCTTTAGTCACAATTCTTGGATTCTTGGGAGTATCCAGACTTTATTGTTGTTAGATGTTTTGTACTC  
AATAACATAATTCCTTGTACGCCTTGCATCCGGTAAACATTGTTATCCCAAGGCAC

>trans\_c\_261 AJ577852|Nicotiana tabacum partial mRNA for villin 1 (vln1 gene)

ATCCCCACTTATATGCATTTTCATTCAATAGAGGAAAGTTCCAGGTAGAGGAAATTTACAATTTCTCTCAAGAT  
GATCTGTTGACAGAGGATATCTTGATACTTGACACTCAAGCCGAAGTGTTTATATGGGTTGGTCAATCCGTTG  
ACCCCAAAGAAAAGCAAAATGCTTGGGAAATTGGTCAGAAATATGTGGAGATGGCTGCTTCTCTAGAGGGAT  
TGTCTCCTAATGTGCCGTTATACAAAATCTCTGAAGGAAATGAACCATGCTTCTCACAACATACTTTTCATGG  
GATTACACTAAGGCTGTTGTTCAAGGGAACCTATTCCAAAAAAGGTGACTTTACTCTTCGGCATTGGACATAT  
TGTGGAGGAAAAGTGAATGGGAACCAGGGAGGAGGACCAACACAGAGAGCTTCAGCTTTAGCTGCTTTATC  
GTCTGCGTTTAAATCCATCTGCAGATAAATCCACCACTTGAGTCCAGATAAGTCCAATGGTTCTAGCCAGGGAA  
GTGGTCCTAGGCAAAGAGCTGAGGCTCTAGCTGCCTTGACCTCTGCTTTTAAGTCGTCGCCTCCGAAGACATC  
TAGTGATCAAGAGTATCGGGCAGAGGGAAGGGCTCACAAAGGGCAGCAGCAGTGGCTGCTCTTTCATCTGT  
TCTGACTGCTGAAAAGAAAAGGGCAATGATTCCTCTCCTCCTCTAACAGCAGTCCCCCACCAGAGAGTAAC  
GTTCCAGGGGCAGCTGAAGAAAAGAATGATGTCTCCAACAAATAGAGAGTAGTCCTGAAGAAGTCTTGGAT  
CTTAAGGAGCCAGAGGAAACCTCTCCTGTATTGAAAAACAATCATGACGATGCAGATGTAAATCAAGATAGTC  
TGCAGGAGGAGAATGGTGTATGATAACAATCTGTCTGTGTTTAGTTACGATCGACTGAAAGCCAAATCTGATAA  
TCCTGTGACTGGAATTGATTCAAAAAGAGAGAGGCCTATCTCTCTGATGAAGAGTTCCAACTGTATTTGGA  
ACAATAAAGAAGCCTTCTACAAGTTGCCAAATGGAAGCAAGACATGCAGAAAAAGAAAGCCGATTTGTTT  
TAATGAATGAATCTATATTGAACGAGAACATTACTCTAAGGTTCAAATATATATTTCTCATCTATTTTGT  
TTCGACTTTCCCGTAAAGACACTGCTACTTGTGTATCTTGGTCGGGCTCGAAATCTGTTGGCATTGATTTGATTT  
GCCATTGATGAACATAGTCATAGATATTGTCATTCAATTGTGCTGCTGCCTGAAGAGTGTTTTTTTTTCTTCT  
TTCCCTTTTCATTTTCATTCTACATTTATCTCTTGGTCATTGTTGCTGGTATGTAATGTTTCAGAGGTTGTAGTT  
TACAAAACCAGCCAGCCAATCTTTCATTTGGTCCTCTAGTAGTTTATTTGCGAGTTTCGCCCTACTGTGCTCGT  
TTTCATTTGCTAGTAGTTGCGGGTTGTATATTAACGATTATGTTGTATGCCATCTATTTCATACAAGGAATG  
ACATATTTTTGTGGATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_262 NM\_124710|Arabidopsis thaliana myosin heavy chain-related (AT5G53310) mRNA,  
complete cds

TTGATATTGACAAAAAATGGCTTCGTTTCACCAAAGGGGCAGTGACGGCAATTTCTCGTTTAGAAGTCGAGGG  
GTTTCAGAGAGGGGAACCTCTTCTCTCGCTTAGTCCCAACTTCGACGATAACGATGGACTCCAGATCCCGGAG

GCGGGTCCTCATCGACGACCGATCCCCAGCTTCCGGAGCTGTGGAACGACCGGATGTTGCCGGACCCGACGA  
CGATGTGCAAGGATTGAAATCCGACCCTCCGATGGGAATGTGACTGAAGATCAGGAGCCCTTCATGGGCAT  
CAAGGTCCGTCGAAAAGCCTCTCTTCATCGTGATTACAAGGGGGATTACATCGACGTGCCCTCGAATCAATTCT  
TGATGAAAATCCTGCAAAAACAAGGTGAACAGAGTGTGCTTTTTGCAGATAAAGTCTTGAAGTTCACTGCTTC  
TGGGAAGATGAAAAGGCGGATTCTTTAATAACAGAGTTCGCCATCTATATCATTGACCCAGAACTGATACC  
CTTAAAAGGAGGATAGCCCTGGCTGCTGTAGATAAGATATGTTTAAGCGAACTAAGTGATAACTTCTTTACAA  
TTGTGATTCCAACCGAATATGACATACTGATGGCAAGTACTCGGAAAACGGAGATTGTTACAGTTTTGGTTGA  
AGCCTTTAAGAGTTCATCTGATTATGAACTTGAGGTTGTATTCTCCAACAGGTTTGCATACAATGCCGGAGGCG  
AACTGATAAAAGAAATTCTGTTTGAGGAAGTCGAAGGTGGTGTGAAAACAAGAATTTTGAGGAAGCAGGAG  
TGAGTTATGATTGTTTTATCGGTCAGTTTCTGATGGCAGTTCGGATATTTCTTTCTTTTAGAAGTTAAAGATTT  
GCTAGTGGGTACTCTGCTTGGTCATTTTGCAGCTGATCAAATTGAAGAGTTGTGTCCCTATATCTAAATGCAAA  
GTTTTAGAATATATTTGTAGTTGTCTTTAAGTATTGATTATTGTATTGTTTCATTGTACAAACTAGACTCATGA  
TCTTTGGATTCTGAATTTGTAGATTCTTGAAGTGTGTAATCTGTATATGAATCAGAAATCGTTGTGGAAATGG  
ATTGAAAGTTGTATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCGCCCTCAAAAATTTTATCAATCCCCC  
ACCCCCGGGGGGGGCCCCGGACCCATTTCCCCTATAGGGATCCTTATTACCCCCCTCCTGGCCCTTCTTTTT  
ACACCTTCTGGCCGGGAAAACCTTGTTTTCCCATTTTATTCCCTTGCACCACTCCCCCTTTCCCCCTTTGG  
CTAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCCATTTCCCCTTTCCAACATTTCCCACCTAAATGGCAAAGGGAACCCCCC  
TTGTACCGCCCTTTAACCGCGCCGGGGGGGGGTTTACCCAAGCGGGCCCGTTACTTTGCCACCCCTTA  
CCCCCGCTCTTTTCGTTTTCTTCTTTCTTTCTCGCAACTTTCCCCGGTT

>trans\_c\_263 HM440161|Camellia sinensis lipoxxygenase mRNA, complete cds

GCTGAGGATTTCTTGCCTTTTGTCTCCTGAAACATTTGATAAGGACAAATTCTTTGGTTTAGAGATGAGGA  
ATTTGCTAGACAGACACTTGCAGGTCTCAACCCGTACAGCATAAGGCTTGTTACAGAATGGCCATTGAAGAGT  
AAGCTTGACCCTGCTGTTTATGGTGATCCTACATCAAAAATCACTAATGAAATAGTGGAGCAACAAATCAAAG  
GTTTCATGACTCTGGATGAGGCTTTGAAAAACAAGAACTATTTATACTAGATTACCATGACCTCTTCTACCA  
TATGTAGCCAAAGTACGAAAACCTAAAGGCACCACATTGTATGGTTCAAGGACATTGTTCTTCTTACACAATGA  
TAGCACTCTAAGACCGTTGGCTATTGAGCTCACTAGGCCACCCATGGATGGCAAACCACAATGGAAAGAAGTT  
TTCACACCCTTTTGGGATGCCACTCGTATCTGGCTTTGGAGGATTGCCAAAGCTCATGTTTTAGCCCATGACTC  
TGTTTATACCAACTTGTTAGTCATTGGCTTAGAACTCATTGTTGCGTAGAACCTTACATCATTGCATCAACA  
GACAACTGAGTGCAATGCATCCAATCTATAGACTTTTGCATCCTCATTTCGATACACCATGGAGATCAATGCA  
CTTGCTCGTCAATCTCTCATCAATGCAGACGGGATCATTGAGAGTTGTTTTCCCCTGGAAAATACTCAGTAGA  
ATTTAGTTCTGTTGCTTACAAAGCTCAATGGCAGTTCAACTAGAAAGCTTGCCTGCTGACTTAATTAACAGGG  
GGTTGGCCGTTGAGGACCCAAATGCACCACATGGACTGAAGCTTGCTATTGAAGACTACCCCTTTGCCAACGA  
TGGCCTGATCCTTTGGGATGCCATCAAAGAATGGGCAACGGAATATGTCAATTACTATTATCCAGATCCAAGT  
CTTGTTAAGGCAGATGAGGAACTTCAAGCATGGTGGAATGAGATTGAACTGAAGGTCATGCAGATAAGAAG  
GATGAACCATGGTGGCCAGTTCTCAACACTCCTGAAGACCTTATCAATATTGTCACCACCATCATGTGGGTACC  
TTCAGGGCATCATGCAGCAGTGAACCTTTGGCCAATACTCTTTTGTGATATTTCCCAAATCGACCTAGTATTG  
CTAGAATCAATGTTCCCCTGGAAGATGTAAATGAAGAGAAGTGGA AAAA ACTTTATTAATAAGCCAGAGCATGT  
CCTTTTAGAGACATTTCTACACAGCTTCAAGCGACAAAAGTCACGGCGGTTTTGAATATATTGTCAAGTCATT  
CTCCAGACGAAGAGTATATGGGAAAAGATATTGAAGCAGCATGGGCTGATGAGCCTTTTATAAAGGGGGCAT  
TTGAGAAGTTCAGTGGA A AATTGAAGGAACTAGAAGGGATAATTGATGAAAGGAATGCTGACCGAAATCTAA  
AGAACAGACATGGAGCTGGAGTTGCGCCTTATAGACTTTTGAAGCCTGAATCAGGGCCTGGAGTGACAGGAC  
AAGGAGTTCCTTACAGTATTTCTATTTAGAACCCATGGCAAATTTGGGGGAAT

>trans\_c\_264 BT015735|Arabidopsis thaliana At5g42470 mRNA, complete cds

AAAGGCAGCGTTTTCTAGTTTGTGCGAGGTGTTCTTTGATCGAAAATCGAGGTGTTCTTTGATCGAAAATCGAG  
GTGTCTCTGCAGCAAAGAAGGTAGTGGTGTGAATTTCTTGAGACGAATCAGGAGTTCATTGTTGTTTCAGTTG  
AACTTGACGGTGGTTCTCCAGATCGATTACGGCGATAAACCTTATAGCTCCATTGTTGAGCTGCTACGGCCAT  
GTCCGCTGACACTGTTCTCCTCTCATTGCTGCCCATATTAATTACCTGCTCAACCACTTTCCCCTCCCTGTTAAG  
ATTGAGCACATGTGGTCTGGCAGTAGACACTACCCTGGAATTATGGATAGGTTACCTTAGTCATGCCTTACTG  
CCTTGAATTCGTCAAATGGGACATCATGTACAATGCCGAATCACCGTTTTCTGCTCCTGATATTATGTTTGGAC  
CAGAAGATGAAAATTTCCATCCATTAGTAGCAAGGTTGATGAAGGAGAAGGAGATCATAATTCATTACAGA  
ACAGTTTACGTGACTGGAACAGCAAAGATCCATCTCGGCTCACTAGCCTCCTTCAAGAACTGAGGGATCGATA  
TGCGTCATACCAAAGGAAACGTGTTGAAGGTGTTGATGATGAAAGATTGAAGTTTGAACCTTGTACTATGTTA  
TCAAGGGAGGGAATTGAAATGCATTTGAATTCAGGTGTTGAGAAGCCAGAGGAGGTCAAATTTGCAGTGCCG  
CTGGTAGACATTAATATTAATAAGATGATACCCGGACGCCGTGGAGGCATCCACAGAAGATATTCTTGACGG  
TTTTATATCCGGTGGTGAGAAAATATGCAACTACTCCTTCTGCGCCACGTCTGAAGTTGGTTTCTACCTCTGAG  
CTGAAGGCTCTGTTATCCATCGAGGACATCAAATTCCTTCTGGATAGATGGAATGTGCATGGCTGAATATCT  
TCCCCATCTAGAAGAGAGTCTTGAGAAACAGGTTCTGGAGGCTGTTTCTTTGATTGATGTTAGGAGAGGCTTT  
ATATAGGCATTGGACAATTTCTTTGGAAGGCCTTTAGAAGCTGACCCGGTGTTTTGCCGAACAGCTACAGTTAT  
CACTGCGTCTGGGGTGTTCACATTCCTGGTCCACATCCTCATTTCAACCCAATTTCCAAAGAAACAGCCTTCTCT  
GGTGCTGCAAAGTTCTCAGCATTTCAACTCTCAAGGTGCACCCATCAAGTCGCAGCTTATTACCGACTATCCTT  
GGAGTCCTAGATGGGAGCCATTGCAAATGGCTGAGCGGATTTTCGAGTTTCTTGCTGACGAGGCTTTGAGTTT  
CATAGGTACTGCAATGAGTCTCAACTTCAATGACGATGGTTCTATGAAAATCTGGTCAACGTGAGTCAATATT  
CCCACCATACGTGAGTACAGTTTATGTATAGTAGCTGTTTGAGTAGAGTAGTGGTGTTCCTAATTTTTGGTTTTT  
AGATTGATTTTGCCATCCCCTTGGGGGGTGTCTGCCTAGTGCTTCCTTGATAAAGATTACGTTGTATTTGGAT  
CGAGAACTGATGTGAGTTTTTCATTTAANGATCATTGTATTTGG

>trans\_c\_265 DQ988169|Brassica napus photosystem I P700 apoprotein A2-like (psaB) gene,  
complete sequence; and photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

CACTTTGCGGTGCCCCGTTACAGAGTGGCCTTGCTGCCACGATCCACTGAGATTCAGCCCTTCGTCGCTCCGATT  
CGATCGGAAGGATAGTGTCTAGACATCGTGATGCAATCATATCACATCTGAACTGGGTGTGTATATTTTTAGG  
CTTTCACAGAAAACACCCACGCGCGACATAACGATACCATGAGTGCTTTAGGGCGTCCCCAAGATATGTTTTT  
AGATACCGCTATACAATTACAACCCGCTTTGCTCAATGGATACAAAACACCCATACTTTAGCACCTAGTATAA  
CGGCCCCCGGTGCAACAACAGGCACCAAGTTTGACTTGGGGGGGTGGTGATTTAGTGGCAGTGGGCGGCAAA  
GTTGCTTTGTTACCTATTCGGTTAGGAACCGCAGATTTTTTGGTACACCATATTCATGCATTTACGATTCATGTA  
ACGGTATTGATACTCCTGAAAGGTGTTCTATTTTCTCGTAGCTCGCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGG  
TTTTCGTTTCCCTTGATGGACCCGGAAGAGGGGGTACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTTAG  
GGCTATTTTGATGTACAATCCATTTCCGTAGTAATATTCCATTTAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGG  
GGTAGTGTAAAGTATCAAGGGGTAGTAACATATTACGGGAGCTTTGCCACGCAGAGTTCTATTACTATTA  
ATGGGTGGCTTCGCGATTTCTTATGGGCACAGGCATCCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCA  
TATGGCCTGTTTTTCTAGGTGCTCACCCCATATGGGCTTTTAGTTAATGTTTCTATTACGCGGGCGTGTTAT  
TGGCAAGAAGTTATTGAATCCATCGTTTGGGCTCATAATAAATTAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGC  
CTTGAGCATTGTCCAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCG  
TTCTTCTTAGCAAGAATTATTGCAGTCGGATAATGGCTAGGAGGATTTGAAAGGCATTATGGCACTAAGATTT  
CCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGCATGA  
CTTCGAAAGTCATGATGATATTACTGAAGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCATTTCCGGGCAATTAGC  
AATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTCTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAGG

ACCCTTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCACGGGTGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTGGAAGCTTTT  
ACTCGAGGTGGTGCTCTTGGCCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTTCATCAGTGGTGGTATACAATCGGTTT  
ACGCACTAATGGGGATCTTTATACTGGAGCTCTTTTCTATTATTTCTTTCTGCGATATCTTTAATAGCGGGTTG  
GTTACATCTACAACCGAATACCCGGTTTAGCGGCCTTTG

>trans\_c\_266 X82833|N.tabacum mRNA for uroporphyrinogen decarboxylase

TAGCAGAACCGAAACCTACCACTTCTGTAGAACCATTATTGCTTAATGCTGTTCTGAGAGGATGTGGAAAG  
ACCCCCAGTCTGGTTGATGAGACAGGCAGGGAGGTACATGAAGAGTTACCAAATCATTGTGAAAAGTACCC  
TTCATTTCTGCAAGGTCAGAAAATACAGATCTTGTGTAGAAATTCACCTCAGCCATGGAAAGTCTTTAAGC  
CTGATGGGGTGATCTTGTCTCAGACATTCTCACTCCGCTTTCAGGGATGAATATTCCTTCGACATTGTCAAA  
GGTAAGGGGCCAATCATCGCCAATCCTATAAGTGAAGCTGCTCAAGTTGACCAAGTGAGGGAATTTATCCAG  
AAGAAAATGTTCCATATGTTGGGGAAGCTCTGACAATTCTCCGAAAAGAGGTTGACAACAAAGCAGCAGTTCT  
AGGTTTCGTTGGTGCTCCTTTCACCTTGCATCCTACGTGGTCTGAAGGTGGTTCATCAAAGCACTTTTCAAAA  
TAAAAAGGCTTGCTTCTCTCAGCCAAAGGTTCTTCATGCATTGCTCCAGAAGTTTACGAGCTCAATGGCCAGG  
TACGTTCAATACCAAGCTGACAGAGGAGCACAAGCAGTTCAAATCTTTGATTCATGGGCCACAGAGCTCAGCC  
CCGTGGACTTTGAAGAATTCAGCCTCCCCTACTTGAAGCAGATTGTTGAGTCCGTGAAGAAAACACATCCAGA  
CCTTCCACTAATTCTTTATGCCAGTGGATCTGGGGGCTTACTTGAAAGGCTGGCTTCAACAGGTGTCGACGTTG  
TTAGCTTAGATTGGACAGTCGATATGGCTGAAGGTAGAAGGCGATTGGGAGCAGACATAGCAGTTCAGGGTA  
ATGTCGACCCAGGTGTTCTCTCGGATCCAAGGAATTTATCACCAAAAGAATAAATGATACTGTGAAGAAGGC  
AGGCAAAGGGAAGCATATTTTGAATCTTGGTCATGGCATTGTTGTGGGTACTCCCGAGGAAAATGTAGCTCAT  
TTCTTTGAGGTTGCTAAAGGAATTAGATATTAGTGGATTGCTGAGATTGATTTATTGTTCTGTTTAGTTGAATTT  
TTGTAGTGTTGTAACTTAATCTTCTCTTGTGGGTCTCAGAAAGCATATAGAGACTGATTCTTCTTAATATTA  
ATTTAGATCTTCGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGG  
GGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAACCCCCCCCCCCCCCGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCCCAAA  
AAGGGGGGAAAAAACCCCCCCCCCGGCCCCCTTTTAAACCCGGGGGGGGGAAAAAACCCGGGGTACCC  
CCCATTTAACCCTTGAGACACCCCCCTTCCCCCGGGGGGAAAAAAAAGCCCCCCCCCTCCCCC  
CCCCCCCCATTTCCCCCGGAAGGGGGAGAGGGCCCCCCCCCTACCCCC

>trans\_c\_267 X79141|N.tabacum Nelf-4A14 mRNA

CTCTTCGCTCGCTTCGCTTGGCCAAACACTCGCTCCAACCTCCACGGATCAGATCCGAAGAGTTTGGCAAAC  
CCTAGCTTCCTCTCTCAATCTCCATCTTTTTCTTCTAACAATCCACAGCTATGGCAGGTTTAGCTCCAGAAG  
GAACCAATTTGATTCTCGCCAATACGATGCTAAAATGAATGAGATTCTTTCAGCCGAAGGGCAGGAATTTTT  
ACCTCATATGATGAAGTTTATGAAAGTTTTGATTGATGGGGCTGCAAGAGAACCTCCTCAGAGGCATTTATG  
CCTATGGTTTTGAGAAACCATCTGCAATTCAGCAAAGAGGTATAGTTCCTTCTGCAAGGGCCTTGATGTGATT  
CAGCAGGCTCAATCTGGAACCTGGAAGAACTGCAACTTCTGCTCTGGGATACTTCAGCAACTAGATTATGGTC  
TGGTCCAGTGCCAGGCATTAGTTTTGGCACCGACTAGGGAGCTGGCTCAACAAATTGAGAAGGTTATGAGAG  
CTCTGGAGATTATCTTGGAGTTAAGGTTTCATGCCTGTGTGGGAGGAACAAGCGTCCGTGAGGATCAACGCAT  
TCTTCAAGCTGGTGTTTCATGTAGTAGTTGGAACACCTGGTCTGTGTGTTTGACATGTTGAGGAGGCAGTCTCTC  
GCCAGATTGTATTAAGATGTTTGTATTGGATGAAGCTGATGAAATGCTTCTCGTGGTTTCAAAGATCAGATC  
TATGATATTTTCAGCTGTTGCCATCAAAAATTCAAGTTGGGGTGTCTCAGCCACAGTGCCACCAGAAGCATT  
GGAGATCACTAGAAAGTTCATGAACAAGCCTGTCAGAATCTTGGTAAACGTGATGAGCTTACTTTGGAAGGT  
ATCAACAATTTTACGTAAATGTTGATAAGGAAGATTGGAAGCTTGAACTCTATGTGATCTGTACGAGACTC  
TGGCTATCACTCAAAGTGTTATCTTGTAAACACACGTCGCAAGGTGATTGGCTTACGGACAATATGAGAAG



CCGTGATCATACCGTATCGGCCACTCATGGTGACATGGACCAGAACACTCGTGATATAATCATGCGTGAATTT  
CGCTCTGGGTCGTCTCGTGTTCTTATCACAACCTGACTTGTTAGCTCGTGGTATCGATGTCCAGCAAGTGTCCCT  
TGTCATAAATTATGATTTGCCGACCCAAACCGAAAAATTACCTTCATCGAATTGGTCGAAGTGGGCGTTTTGGAA  
GAAAGGGCGTTGCCATCAATTTTGTACAAATGATGATGAGAGAATGCTTTTTGATATTCAGAAGTTCTATAAT  
GTGGTCATTGAGGAGCTGCCAGCCAATGTTGCAGATCTCCTATGATGAGGTTTTTGTGTTTTTTTTTTTTTGT  
TTTTTTTTGTTTATAGGGATGGGATTTCTCTCTTATCTCTGAATGACACTATTTAGCCTCCCCCACTTGAACCT  
CTCTATTTTTATCTTCCCTTTGTTTTCATATATTAGTATTGTCAAACCTGACATTTTGTTAATGATTATTTCTGCT  
TTCTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_268 Novel Gene

GATCCCCGTGTGAATCAGCAAGGACCACCTTGCAAGGCTAAATACTCCTCAATGACCGATAGCGAACAAAGATA  
CCGTGAAAAGAAAGGTGAAAAGAACCCTATTTAGGGAGTGCAATAGAGAACCTGAGATCCGATGCTTTCAATC  
AGTCGAAGGAGCGGCAAGGGAACCTGAACCTAAGAGAAAGTCAAGCTATCTCACTCTAACGGCGTACCTTTT  
GCATGATGGGTGAGCGAGAAAATGGGAACCTGCGGCTTAAGCCATTAGGTGTAGGCGCTTTCCAGAGGTGGA  
AGATTCTCGTTCTTCTATTTGACCCGAAACCGATCGATCTAGCCATGAGCAGGTTGAAGAGAGCTCTAACAG  
GCCTTGAGGAGACCGAACCCACGTATGTGGCAAAATACGGGGATGACTTGTGGCTAGGGGTGAAAGGCCAAC  
CAAGATCGGATATAGCTGGTTTTCCGCGAAATCTATTTAGTAGAGCGTATGATGTCGATGGCCCGAGGTAGA  
GCACTCAATGGGCTAGGGTGGCCCCATTTGCTTACCAACCCAGGGAACTCCGAATACAGGCCTAGATCG  
TTTGTACAGACAGACTTTTGGGGTGCTAAGATCCAAAGTCGAGAGGGAAACAGCCCAGATCGTACGCTAAGG  
TCCCTAAGCAATCACTTAGTGGAAGGAAGTTCTCGAGCGATGACAACAGGAGGTGGGCTTGGAAGCAGC  
CATCCTTTGAAGAAAGCGTAATAGCTCACTGGTCTAGCTCCATGGCACCGACAATGTCTCGGGGCTCAAGTGA  
TTCACCGAAGCGACGAGACCTTGAAAGCAGCTTTTTCAAGTGTCAGTAGCGGGACGTTCTGTCAATCGGGGA  
AGTTTTTGGTGACAAGACCTGGAGATATCAGAAGTGAGAATGCTGACATGAGTAACGAGAAATCCTGTGAA  
AAACACGATCGCCTGCCAGTGGAAGGCTTTCTGCGTTCACTCAATCTACGCAGAGTGAATCGGTCCCTAAGGA  
ACCCCCGAAAGGGCTGCCGTCCGATGGGTACACGAAAGTGACGAAGTAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTG  
TCTGTTGGAGCGAATAGGATGATCGGGCCGAGGGCAGCCCCCTTCCCCTCACTCTCCTTTCCCGTCCGTGG  
GATTCACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACTCGGCCTGGTCCAACCTATTTCTGATAGTCAATATAATGGAAA  
GGCGAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGGCGGACACCTTTTTTTGTTATCTAAAGGCTTT  
GACTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGGCTCCGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTT  
TCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTGTTTTCGAATGTCTCGTTCAGCCTCACGAGTCTACAAGCCTTTCTCAT  
TCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGGTCCCAGAGAGCGTACCGCCATAGTCGTGAGTCTGTGAGCAGCTATAT  
GAGATGCCATAGTGAACAAGGTTGAACTTCCACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_269 NM\_120873|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT5G07910)  
mRNA, complete cds

ATTTTATTTTAAGCATTCTTTTAATATCCATCTCTGTTGTCTTCTCAAACATTCTCCTGGTCAAGGTTTTCAATG  
ATCCGTTTCCGTTGATCAATCAATCTAAGACTTTTTGTGAACTTTCGTTCTTCTGGGTCTGTTCAATTCACGATT  
TCTGGTGACACACTGTCTTCTCCGATGCTGGGGACACCATTTTCTTTCAGACCCAGTTTGGATTGGCGAAATT  
TCCTTTGTTTCATCGATGATCAAAGCTGTGTCGTTTGATTGATCAAATCTCTGTAGAAAGGAGTACCCAGAGAC  
GTATTCAAAAAGCTTGTCATCACTACCATCCTTGTTCTTTCTTGGAAGGCTGAGTTTTTCTCTGGTGCTGGTAA  
CATGGGGTGCTATGCTAGCAAGAATGCAGATTCAAAGGCCAGCAGAGTGGCTCGATGGCGAGCTACTGGTAT  
CGTGGCTTTGCGAGACTCAAAGTTGAAGACATTTCTGATGAAGTTCTTGACATGGAAAGATCTGTTCTGTACC  
CTTGATTTAACAACAATAAAATAGTTGATATCCCATGGAAGTCTGCAAATTAATAAACATGCAGCGTCTGGT  
ATTGGCAGATAACCTTATTGAACGTCTACCAATGAATTTAGGGAAGCTACAATCTCTAAAAGTTATGATACTTG

ATGGAAATCATATTACGACATTACCTGATGAATTGGGTCAGCTAGTACGACTTGAACGTTTATCTGTCTCCCGA  
AATCTGCTTTTCGTCCTTACCTGAAACCATTTGGAAGCTTGC GGAATTTATTGCTTATCAATGCGTCAAACAACAA  
GTTAAAATCTCTCCAGAATCAATAGGAAGTCGCTTCTCCCTAGAAGAATTGCAAGCAAATGATAATCTTATGG  
AAGACCTTCCCTCGTCTTTGTGCAATCTGATTCACCTGAAGTCGTTGCGTTTAGATAATAACAATATTGGTCAGT  
TACCATCAAATCTGTTGAAAGATTGCAAAGCATTGCAGAATGTATCTTTGCATGGTAATCCAATTTTAATGGAT  
CAATTTTCAGCAGATGGAAGGATTTGAGGACTTTGAAGCTAGGAGAAAAAAGAAATTTGACAAACAAATCGA  
TTCCAATGTCATGATTAGCTCCAAGGGCCTTGATGAAGGCGCCGATCTGTAAAAAACCATTGCACTGGCTTT  
ATAGAAAGAAAAAAATATTTATGGGGGAGATGATTTGCTTATTTTCTGGTTGGTTGGTGTGTAAATTGAAA  
GGGGTGAGAATTTTGATATTGCAAGAAACCTGGGGACTATTGAGCTACGTTTTGCTAAATAAAAAATGTACACA  
GGAGGACTCCCAATAACAGTACAGTTGTGTGTATAAAATCATAAACCTTCTTCATTTTTATTTTAATTTTTTGT  
CATTGCGCGGGAATTGTATTATTTCTGTATAATTGAAGTTCAAATCTCTATAGTAATGTGGGCGGAGGCCTAAT  
ATCAGATATAGAACTGTTGTTTATGATTGATTGTTTTTGGTTTTTTTGGTCTATGAAAAAGAACATTATAA  
ACACACAGTAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_270 XM\_002867879|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ATTGAAGTGTTGTCACAAGTTCTGCTCGCAATGTCTGAAGACTTATGTTGATGGAAAAGTAGATGCATCTCAA  
GTTCTATCAGATGCCCTCAGTTGAGATGCAAATATTACATCACAAGCAATGAGTTTAAATCGTTTCTTCCCTG  
ACTTTATACGAATCGTTAGAGAATACCTTAGCAGAAGCAAATATTCATGCGGATAGAATTTACTGCCCTTTTCC  
AAATTGCTCTGTCTTGTAGACCCAGCGAATGTTTGTGCTAGGGAAGTTCATCAAGTCAATCAGATAATA  
GCTGCATTGAGTGTCCAGTTTGTGAGAGATTTATCTGTGTTGAATGTCAAGTTCCTTGGCATTTCATCAGTGAGC  
TGCGAAGAATTCAGAACATCCATTAGAGGAGAGAGACACTGCAGATATCACCTTACATCGTCTTGACAAAA  
ACAAAAGGAGGAGGCGTTGTCACGAGTGTATAGGATGATTGAATTAACCTCAGGGTTGCTTTCATATGGCAT  
GCTGGTGTGGGCATGAATTCTGCTATTCTGTGGTGTGAGTATCAAGATGGGCAACAGACCTGCCAACGTGC  
CTTTTGGGACGAAGACAATTCCGAGAACCTGGTCACCCACTCCGTCCAAGAATCTGAGCAGTGGGCATGGGA  
GACTTTTAATTCCCTCCCATGATAATGGATGCATACTCAGAGCAAGAGAGGTCACAATTGGCACTAATTCAAC  
GATTCCTCGCTGGGGGATTTAGTCTGAGCGACCAACCATATCAGTCTCCACCACGATGTACAGACTCTTAT  
GTCGACACTATGAAGGACATACACCAGCTTCCTTGGCTCGAGAGGTTTGTCTTCTGTTATAAGCGATAGCTACTA  
CGAAGATTATGTACAATGATATCGATTCTTAGGTGTCTTACTGAAGTTGACAAAATAAAAGGGAGGTAAGAA  
GAGTTTCTTACTCTAGCTTTCCTCCCTCATTTACACCGCACAGCTTGGCGTTTCTGTCCGTAGTTAAGCTCTCTT  
ATCTACTGAATCATGCTGGAATTTATGATGTGACCTCCCTCAAAGGTCCTCCTTGCAATTAGATTAGAATGGAG  
GAATCTTATGCAAGAATGTCAGCTTTTCTTCTATCCTCTTCAAAGAATTGTTTGAAGAAAAAAAAAAAAAAAA  
GAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAGAGAAAGGAAAAGACCGAAAGGAATAG  
ACAAGAATTTAATGATGTCAATCAATGAAAATGAAATTTGTCTGCATCGTGTGTATGGTGTGCATCCTTTTCTT  
TGTGAATGATAGTTCTGTTCTGTCATGCAACTTTCTCATTGCAGAGGTGGCCTTCTCTTTTAATTAATTATTA  
GTCATTTTACATGGTCCCTCCCAATTTCAATTGCTAAGATCATGAGGTCATTTTATAGGAAAGCATTTGATACATA  
AATGGACATATGTATTGAGCCATGCATTTAGCTGTCTCTAGCAGTTATGGGAGGGTGAATGCTTGTTCTTCAG  
ATAAGGTGGGTCTGAAAATAATAAATTTAAGAATAATTCTGA

>trans\_c\_271 AJ006974|Nicotiana tabacum mRNA for NAD-malate dehydrogenase

TCATTCAATCCCAACCGGAAAGAGTTTTCTTCTCGCCTCTCACGCCTCACAACCTACATTCTTTTTCTTTGCCT  
GCGGTTTTCTCTCAGCTCGTCACAAGTCGCGATCTGTGAGTCTTCGCATCTTGCCGTCGATCGCCGGCGAG  
AACCTTTTCCGTTTCATCTCTTTCAGATTCACATAGAGTCAGATATGGCAGCAACATCAGCAACTATTTTGTCAA  
TTGGAGCAACTGAATCACTTAATTGTAACTCAGCTCGTTTTCCCATTCAAAGTCTGCTAGCTTAAGAATCAATT  
CACACGAGACGCTTCAGAGCTTCTGTGGCCTCAAGGCAGATTCATCCCTTCGTTGTGACTCAGAGTCGTCTTC

TTAGGGAAACAAAGTAGTGCTGCCCTATGGCGTCATCTTGCTCCATCAGCACAAAGAGTGAACTGAATGTAC  
GCAAAAATCTTCAACCTCAAGCCTCTTACAAAGTTGCTGTTCTTGAGCTGCTGGAGGAATAGGTCAGCCTCT  
GGCCCTTCTCATCAAGATGTCTCCGTTAGTTGCCACCTTGAACCTTTATGATATTGCAACGTCAGGGTGTTG  
CTGCTGATATTAGCCACTGTAACACGCCCTCAAAGTTTCAGGATTTACCGGACCTTCTGAATTAGCCAATGCT  
TTAAAGGTGTAGATGTTGTTGTCATACCTGCTGGGGTCCGAGAAAGCCAGGTATGACTCGTGATGACCTCT  
TCAACATAAATGCTGGCATAGTGAAAAGTTTGGTTGAGGCTGTTGCTGATAATTGTCCTGATGCTTTCATCCAT  
ATCATTAGCAACCTGTCAACTCAACTGTTCCAATAGCAGCAGAAGTTCTAAAGCAGAAGGGCGTGATGATC  
CAAATAAGCTTTTTGGGGTACTACATTGGATGTTGTCCGGGCAAACACTTTCGTTGCTGAAAAGAAGAACCTT  
AAACTGATTGATGTTGATGTCCAGTTGTTGGGGGACATGCTGGAATAACAATTCTCCTTTGCTATCAAAGAC  
ACGCCCTTCAGTAAGTTTTACAGATGAACAAATTCAAGAACTAACTGTTAGAATCCAAAATGCGGGAACCGAA  
GTTGTGGAAGCAAAGGCTGGGGCAGGATCTGCTACCTTTCAATGGCATATGCTGCAGCACGATTTGTGCAAT  
CATCTCTTCGTGCTTTGGATGGAGACAGTGATGTTACGAGTGCACTTTGTGCAGTCCGATCTAACTGAGCTT  
CCCTTCTTGCATCGAGGGTTAAGCTCGGGAGGAAAGGAATTGAAGCCTTTGTAACTCTGAACTCCAGGGTT  
TATCTGAGTACGAGCAAAGGCTCTTGAAGCTCTAAAGCCAGAAGTGAAGGCAAGCATTGAGAAGGGCATTG  
CATTACACAGAAGCAAGCTGTAGCTGCTTAAAGACTTGCTTTCCAGAACATGCTTGGAGAGTAGTATTGAA  
TCCCAATAATCGGTTTGCGGCTTTCTTTTTGTTTAGTAGTTGTATGTTTTCATTTTACCTCGTAATTATCAAAA  
GAATGTAATCGTTTCATTANGAGTTCCTAGTAATT

>trans\_c\_272 XM\_002865785|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein 93-V (CLPC),  
mRNA

GTTGATGAAGCAGGTTCTCGAGTTCGCCTTCGTATGCTCAACTACCCGAGGAAGCACGGGAGCTTGAGAAA  
GAGCTGAGGCAGATCACAAAGGAGAAGAATGAAGCAGTTCGCAGTCAAGACTTTGAGAAGGCTGGGGAATT  
GCGTGATAGAGAAATGGAACCTAAGACTAAGATCTCTGCTCTAGTAGATAAGGGCAAGGAGATGAGCAAGG  
CTGAAAGCGAGGCAGGAGATGTAGGCCCTGTTGTGACTGAAGTTGATATTCAGCATATTGTTTCCTCTGGAC  
TGGCATTCTGTTGAGAAAGTATCTACCGACGAATCTGATCGCCTCCTCAAATGGAAGAGACCCTCCATAAG  
AGGGTTATTGGTCAAGATGAAGCAGTTAAAGCCATCAGTCGTGCCATACGCCGAGCTCGTGTTGGTTTGAAG  
AATCCCAATCGTCCAATTGCTAGCTTTATATTTTCTGGTCCAAGTGGTGGTAAATCTGAGTTAGCGAAAGC  
ATTGGCTGCATACTATTTGGGTCTGAAGAAGCAATGATTGCCTTGATATGAGTGAATTTATGGAAAGGCAT  
ACAGTTTCCAAGCTCATTGGTTCCCTCCTGGTTATGTTGGTTACACGGAAGGTGGTCAATTGACAGAGGCTG  
TTCGACGTCGTCCATACACAGTAGTGCTCTTTGATGAGATCGAGAAGGCTCATCCTGATGTATTCAACATGATG  
CTTCAAATTTTAGAGGATGGAAGATTGACAGATAGCAAGGGCAGGACTGTAGACTTCAAAAATACACTTCTGA  
TAATGACATCAAATGTGGGAAGCAGTGTTATAGAGAAGGGAGGTGCGAGAATAGGGTTCGACCTTGATTATG  
ACGAGAAGGATAGTAGTTATAACCGAATCAAGAGCTTGGTGACAGAGGAACTGAAACAATACTTCAGGCCGG  
AGTTCTTGAATAGGTTGGATGAGATGATTGTCTCCGTCAGCTCACAAAATTGGAAGTGAAGGAGATTGCGG  
ATATAATGCTAAAGGAGGTGTTTGATAGGTTAAAGCGAAAGAAATTGACCTTCAAGTGACAGAGAGATTTA  
GAGATAGGGTAGTGAGGAAGGATATAACCCAAGCTACGGTGCGAGACCTTTGAGAAGGGCAATAATGAGA  
CTTTTGGAGGACAGCATGGCAGAAAAGATGCTGGCAAGGGAGATCAAGGAGGGTGACTCGGTCATCGTGGA  
TGTTGATTGCGATGGAACGTTACAGTACTCAACGGCAGCAGTGGTGCTCCCGAATCCTTGCCAGATGCCATC  
CCCGTGAACTACTCCATTTTATTACGTAGAGATAACATTCTTACTAGCTCATAAAATGTATTTCCAACCTTCAT  
CTTATTTAAATTAGTAGGCTGTACACTCGAGACGAAAAAAAAAAGAAATTAATGTATTGTAATTTGCTTTGTCA  
GTGGATCCTTGCCAATTGTCGATTGTTATAGCTGATTTATGTTTATTGCTCCTGTACACTCTAGCTGGAATAT  
TCAGAAGAAAACAAAAGAATCTACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_273 NM\_101961|Arabidopsis thaliana transporter-related (AT1G21070) mRNA,  
complete cds

TCTTTGCGTTCACTTATCTGTGAACACATTTTAAGATCCGATCTGGGCATCTGCTGTTTGGGGGGGTCCTTCATT  
TCCTCTCCCCGCCCTCCAATCTCATCCTTTTCTGTTTCTCTCGCTCAGATTTTGTGCAATTTAAGTTTATTCGAG  
AGAGAGAGAGAAAAGGAGAAATGGAGGCTGAAAAGAAATCGTCGGCGGTATCGGATGTCGGGGCGTGGGCG  
ATGAATATCGTCAGTTCAGTCGGGATAATTATGGCCAACAAGCAGCTCATGTCTGCCAATGGCTATGCTTTCA  
GTTTCGCCACAACCTTTGACTGGGTCCACTTTGCGGTGACTGCACTGGTTGGTCTGGTCTCAAATGCCACTGGT  
TATTCCTCATCAAAGCACGTTCTTTGTGGGAGCTCTTTGGTTTTCTATTGTTGCAAATATGTCTATCACGGGA  
ATGAACTTTAGTCTTATGCTGAACTCAGTGGGATTTTACCAAATCTCAAACTCAGTATGATCCCTGTGGTTTTGT  
GTGATGGAGTGGATCCTTCATAACAAGCACTACTCAAAAGAAGTTAAAATTGCTGTTGTTGTAGTAGTAATTG  
GTGTGGGAGTTTGCCTGTCACTGATGTGAAAGTTAATCTCAAAGGGTTTTTATGTGCATGCATAGCAGTTTT  
GTCGACATCTTTGCAGCAAATTACTATAGGTTCACTACAAAAGAAGTACTCCATTGGATCTTTGAATTGCTGA  
GCAAGACTGCACCTATTCAAGCCCTCTCCCTTCTGGTCTCGGTCCATTTATTGATTACTACCTTAGTGACAATT  
CTCTACTGAACTATAAAATGTCTTCTGGTGCCATTTGTTTCATCCTTCTTTCATGCGCTCTTGCTGTGTTCTGCAA  
TGTCAGTCAATACTTGTGCATTGGGCGTTTCTCAGCTGTGTCTTCCAGGTGTTAGGTCACATGAAAACAGTAT  
GTGTTCTCACATTGGGATGGTTGCTCTTTGATTCCGAACTAACTTTGAAGAACATATCAGGCATGATTTTAGCA  
GTTGTTGGTATGGTTATTTATAGTTGGGCTGTGGAGGTTGAGAAGCAATCTAGCATGAAGACTAATCTCAATG  
CGAAAAATAGTCTGACGGAAGAGGAAATTAGACTTCTGAAAGAAGGAAGGGAGTCCAATCCTGTTAAGGATA  
TTGAACTTGGTGAGACTAAAGGATGAATTTACCTTGTCTTTTTAGGTCATTGCATTGTGTTGTGTCTAGTGTCT  
AGTCTTAGACTTACACTTATTCGTATCCCAATCCTTGCACCGATTAATTTAGATATTATATGCCCCGTAGTAAC  
CTTGTGTCCGTTCAATTATATTTTTCTGTTACATTTATATTTATACGTTTATATGTATGTATATCTTTTTCTTT  
TTCCTTCATATTATTTATGCTAAGAGGTTAGTTCTAAGGCCATGAACCGATGGTAAAATGTCAACGTCATTTGT  
AAGTGAACTTTATTTTATTTACTTCTTTAGATTCTTCTTTTTATGAATACAAAATACATCACCTTGTTACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_274 XM\_002893404|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

AAGAAAAAATAGTTCTTATTTGTTTATTTATTTATTAAGGATAAAGGCTTCACAAGCAATAAAGGAAT  
ATGTTTTGGATGGATAAGAATGAAAAAATCAAAGCTTTATCAAAAAGGAAAAAATAAAATACAATTTGAA  
GCCATCCTCCAACAAACCCATAATGAACTCTACCATTCAATTCATCTTCATCTTCTTCATCATCATCATATT  
TCAGCTGAAACTGTTCTTTCTTATATGAAAGTCTTTTCTGACCCCAAAGGCTGAGCAAAGGTTTAATTTCACT  
GCCACCCGCCATTGACTAAAGGACAAAGCTTCTAAAAGCTAGAGAGAAATAATAATAAAAAAAGAGGCTT  
CTTTTTGTTTCGAAAGTGGGTTTGGGGCTTACCTTCTCCGTTTTGCAGTCTCTTCTTTGTTGGGGATTTGG  
GTTATAGGTTTTAAGCTAGGTTTGTCTTTGCCATACCCATTAAGAAAACCACTCTACGCTTTGGTTTTT  
CTTGCTTTTTCTCTATTGTTTTCATCGTTTTCTTGAGAGGAGGGAAGGGATTCTTTCAGAGTATGTATTATCAG  
CTCGAGAAATTCTCTCATCAGGATTCTCTGGAAGTCTTGAAGCGGATATTCAGTATGCTAATTCTTTGGCTGC  
TGCAATCCCCATGGCAAAGGGGGTGTCTACCTTCAAATGAAGTTGGTTTATAATCACTTGGCTCCCATTTGTC  
TGTTTTTGCTACAATGGATGGATTGTTCTTGCACTTGCTTGCTTCCAAGATATTTGAACCTCTTCCACATACTTGT  
GTACAAGGTATATCCGGAGGGGAAACAAAAACAAATATATCAAGGCATGGAAGGAAGGCAACTATTAGGG  
ATTTCTATGCTATAATATTGCCTTCGCTTCAGCGAATCCATGGTAGCTTGGATAAGTTGGACGATTGCAAGGAA  
GGGCATCACTGGATTGAGATGTCTAGCAAGAAGAGAGGTGATAAAGATGGTAGACTCAAGAACATCGATAT  
GAAGCGAGAAGACGAGTGTGGTATTTGCTTGGAGCCCTGTACAAAGATGGTTTTGCCGAATTGCTGTCAATCA  
ATGTGCATCAAATGCTATCGTAATTGGAACACAAGGTCAGAATCATGTCCATTTTGTGCGTGGCAGCTTGAAGA  
GGGTCAACTCAGAGGACTTATGGGTGCTCACGTGCAGCGATGATGTGGTTGATACCGAAACCGTCTCCAAGG  
AGGACATGTTGCAGTTTCATCGCTACATAAACAGCCTTCAAAAGACTATCCAGATGCCCTCTTCATAGTATAT  
TCCGAATATCTAATTTAGTTCAGGCTTCAGAGTAACTGTATAGAGGGAAAAATCCCTACGCAAATTGTAAAGG  
TCAGAACATATCCTCTGCTTCATATAGAATCATTGATCACATGACATGCTTAGCTAGAACCAATAATGAATC

AATGTAAGATGCCAATCATCTCCGCATCTCGGCTCGTGTATCTTATAAACTTGAAAGTGCCTTTTTCTAATGCAC  
TGATTGTCAATAAAGATGAATTTGGTCTCTGGT

>trans\_c\_275 NM\_115676|Arabidopsis thaliana phenylalanyl-tRNA synthetase class IIc family  
protein (AT3G58140) mRNA, complete cds

AGGACTGAGCAGGACCAGAAGTGGAGGGAACGACGAGCATGGCGTCGACTCTGTCACTGACTCAGGCTCTTC  
TCTTCACCACTGCTTCTAATCTTTACGCAGAACTCTCTCAGAACCACTGTCTTCTCTGCATCTTTCTCCTCTCC  
TCAGCTCTTTCTCCGATAGCCTTCACCGGAAGAAATGGGCGCAGCCGGTCTCTTCGCTTCTTGAGCTCGGCG  
GAGTCGCAATTGCGAAAGATGATGTTGTGAGGGATGATCCTACGAACAATGTCCCAGATAATATTTTTTCAAA  
ACTTGGTATGCAACTCCATCGAAGAGATAACCATCCACTTAGCATTCTGAAGAATGAGATATACAACATATTTTG  
ATACAAATTACTCAAATAAGTTCATTAAGTTTGATGACCTCAGTCCAATTGTTTCCGTGAAGGAGAACTTTGAT  
GATGTGTTAGTTCAGAAAGATCATGTAAGCCGCAGTTATAATGATACATACTACATTGATTCGCAAACTGTTCT  
GAGATGTCATACAAGTGCTCATCAAGCAGAGCTGTTGAGAAGAGGATATACTCAGTTTCTTGTGACGGGAGA  
TGTTTACCGTCGAGATTCCATTGATTCAACTCATTACCCTGTGTTTCATCAGATGGAAGCTGCCGTGTTTTTC  
TCTCAATGATTTGGAGGTATCTGGTACAGATGGAACCTTCTATGCTGCTGATGACTTGAAGAAATGCTTGGAA  
GGTTTGGCAAGGCATTTGTTTGGTGCTGTGGAAATGCGCTGGGTTGATGCATATTTCCATTTACAGACCCATC  
ATTTGAACTTGAGATTTTCTTTCAAGAGAAATGGCTGGAAGTATTGGGATGTGGGGTGATGGAGCAAAAAAT  
ATTGAAAAAATGCGGCAAGAGAATCATGTTGCATGGGCTTTTGGTCTTGGTTTGGAAAGACTAGCCATGGTT  
CTTTTGGTATACCTGATGTCCGATTATTTGGTCAGCTGATGAGCGATTACCTCACAGTTCTCAAAGGGCAA  
GCTAGGTGTTAAATTTAAACCATTTTCTAAGTTTCCACCTTGCTACAAGGATATTAGTTTTTGGATCAATGAATC  
TTTACCGAGAATAATCTGTGTGAAGTTGTGAGAGGAATTGCCGGGGACCTTGTTGAAGAGGTGCAACTGAT  
AGACAGTTTTACCAATGAGAAGAAAGGGATGACGAGTCACTCGTTATAGGATTCGCTTACCGATCTATGGAAC  
GGTCACTCACAGATGAAGAAATCAATGATTTGCAGAGGAACGTGAGAGAGCAGGTTTCAAGAGCAAGTTGAAA  
GTTGTCTTGAGATAAACATCGAAAATGCAACAATTTCAAGTATTGCCATGTAATGGTTATTTACTCTTTACCTGC  
TCTACGGAATGAAATTTTCTCTGAACATCATTTGAATTATTTCACTAATTTTTTTTTCAATCTGGGTGATAGGA  
AGTCTAGAGTATATAATCCAGTTAAACTATGAAAATAATCATCCAGAATTCAAATGGAGATGTGCTGCAAGT  
TAATTTTTAAATGTATACAATGAGTTTCTTCCCTTAAA

>trans\_c\_276 AY136373|Arabidopsis thaliana expressed protein (At1g28120) mRNA, complete cds

AGGAAATTTTAATTTTAGTTTTACCATAGTTGACCTCTTTACATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTC  
TTCTTCTTCTCAGCCCTAATCCCTCTCACCCTCTCCACCCTTCGATTTCTCCCTCATTTCCCATTCCAACGCTT  
CCTCCATTTTCACTCACCTCAACAATGGTTATCTCTCCTCCATGGCGCCCTTTCCCTTTACTCTTTAGTATC  
TGCTTCCCCAACCTCTGACAACTCACCTCTCCCCTCATCCTCTGTGGCCTCCTAGTAGGCAAGTTTGTGAGCTG  
GTTGGATCATTACAGGGAAGTCCCAAGGGAAATCTTGCATAGGTTTTTCAAACCCGACTTCACTAACAGAAG  
AAACAGAAGTATTTGTTAAAAGAATGCAGAATCAGGAAAATCTTGATACAGATGGGAAAGCGGAGTCTATA  
ATATCCATTCAAACATCAGAATACGATAGTTGGGGCAATTTGGGTGATGACGATATCATGCTGCAGAAATCTG  
CAATTTTTGTTGAGGAAGCTGAGAAAGTTCCATTTGTCGGTGACAAGGAACCACTTTCTTCTTTAGAAGCTGAA  
TATAAATCGGGAAGTCCAATTTTGTGGAATAAAGGTGCTCAGTGGCCAATATGCTGCCATTCGTCGAA  
CACGTGGTGATGGGAATTGCTTTTCCGAAGCTTCATGTTTTCTTATCTTGAACACATTTAGAGTCGCAAGAC  
AAAATGAAGTTGATCGCATCAAAACAAATGTTGAAAATGTAGGAAAACACTTCGAAGTCTGGGATATACAG  
AATTTACCTTTGAAGATTTTTTTCGCTATTCTTGAGCAGCTGGAAAGTGCTCTTCAAGGAAATGAATCCTCTA  
TAAGTCATGATGAACTTGTTATTAGGAGTCGGGACCAGTCTATCTCTGATTATGTTGTTATGTTTTTCAGGTTTG  
TTACATCAGGTGAAATACAAAAGCGTTGAGAATTTTTGAGCCTTTTATTATGGGATTGACAAATGGAACGGTT  
GATCAGTTCTGCAAGACAGCAGTTGAACCAATGGGTGAAGAGAGTGATCATGTACACATAATTGCCTTATCTG

ATGCTTTGGGTGTGCCGATTCGTGTTCTGTACCTTGACCGAAGCTCCTGTGATTCTGGTGGCCTCAGTGTAAC  
CACCATGATTTTGTTCCTGCTACTACTGAGGTCTCAAGTGATAGTGCTGCCTCTGAGATAAAGATCCCTTTCATT  
ACTTTGCTCTATCGTCCCGGTCATTATGATATCCTTTATCCAAAGTGATGGCCTTTGGCAAACCTGGTGGGGC  
TCTCAGAGTTGAACTGCATCCACACGACAGACATGGATCCAAGCTTCGACAAGATTAAAGTTGGATCTTCAT  
AATTGATGCTTGCTAGATGTTCTGTACTGATTTTAATTACTGATGAGCTTGTTTGAGTAAAAAAAAAAAAAAG  
AAGAAGGAATTATATTCACCAGTTAACTGAAATTTGAAATATACATGTGAATCGGTCATCTAGTTTTTCAGTCC  
TCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_277 AB091780|Solanum tuberosum StMEK2 mRNA for mitogen-activated protein kinase  
kinase, complete cds

CTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCCGATCCATTCTCTCAATCTTTATTCTTCAATTTTCTTTCTGCGTTTTCATTTTTA  
TTCCATTTTTCGATTCCTTCTTCTTCTCGTCAGTGCCGATGAGACCTTTCAGCCGCCTCCAGGTACAAATCCTCC  
CACCGATCGTACTCGTCGCCGTCCCATCTAAATCTCCATCTTCTCAACGGGACAACACATCTTTGGCTGTTCC  
TCTTCTTTGCCTCCAACCTCCTCAACTCTGCGCCTCCTCTCCACCAGTCAACACCACAACGCCAATCGCCCC  
CCTGACCCTCATCCTCACCAACGTCAACCTTTCACCCTTCTGAGTTTGAGCGTGTGAGCCGAATCGGAAGCGG  
ATGTGGAGGTACCGTTTACAAAGTCGTTACCCGTCCCACCGGTCGTGTTTATGCTCTCAAGGTCATTTACGGAA  
ACCACGAAGATGCGGTTAGGCTTCAGATGTGCCGTGAGGTCGAGATCCTTCGTGACGTTGACAATCCCTATGT  
TGTTAAGTGCCATGATATGTTTGATCATAACGGTGAAATCCAGGTTCTTCTTGAGTATATGGATCGGGGTTCTT  
TGGAAGGAACACACATCCCTCAAGAACATCAACTCTCTGATTTGGCTCGCCAGATTCTTAGCGGTCTTGCTTAT  
CTTCATAGCCGACCTATCGTTTCATCGCGATATCAAACCGTCCAATCTTCTCATCAATTCTCGAAGGCAGGTTAA  
GATCGCTGATTTTGGCGTCGGTCGAATCTTGGAACAGACTATGGACCCTTGTAATTCCTCGGTTGGGACTATT  
GCGTATATGAGCCCTGAGAGAATCAATTCCGATCTAAATCAGGGTCAGTACAATGGTTATGCAGGGGATATTT  
GGAGCTTTGGGGTTAGCATATTGGAATTCTATCTGGGTGCTTTTCTTCTGCTGTTGAGAGGCCTGGGGATTG  
GGCTAGCTTGATGTGTGCTATATGTATGGCTCAGCCACCAGAGGCCCGGCCACTGCTTCACCGGAGTTCCGC  
CACTTTATTGCTTGTTGTTTGCAAAGAGAAGCTCGGAAGAGATGGACTGCAGCTGCATTACTGGAGCATGCGT  
TCATAACAAGGAAAAATGGAGCAAGTCAGTTCCAGAATAAGCAAGCTCATCATCAGAATCTTCGTCAACTATT  
ACCTCCTCCGCTCTTCATCCTTCAGCCTTCTTGAGACAACAAGACAGTCTTTTAATATTTTTCTCATTTTGTTT  
CTTTTTCTTTTTCTTGAATTACTCTGTCTTCTGAGAAGCATGACGACCGCCATTATTGTCCTGTAATTTTTCT  
GGAATAGCCCAAGGGAATGGTAAATTATTTGCTGTTTAGAATCAGTAAATCAATCTGTTTTTCACGACATTTT  
CAGAACAAACATGCAAAAATTCCGTAATCTTTGCCGGTGGCTGAAATATCAATCAAGCTAAATCAAATTCGT  
TTAACTTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_278 NM\_123009|Arabidopsis thaliana scpl1 (serine carboxypeptidase-like 1); serine-type  
carboxypeptidase (scpl1) mRNA, complete cds

ATTTCTCCCGTGACCGCTAACCAGCAGGAGGCAATGGTCCTTTCTTCCGCCTCTCCGTTTCCGTTATTGTTCTT  
CTTCATGTATTCTCCCCGCCGCGCTGATTCTCACTGGACGGTGAAGTCTTGCCGGGATTCTCAGGAGGAG  
AACTTCCTTTCTCGCTGGAACTGGATATGTAGGAGTGGGAGATTGGGAGGAATTCAGTTGTTTTATTATTTT  
ATAAAATCATATTCAAATCCAAAACGGATCCTCTCATTCTGTGGCTTACCGGAGGTCTCGTTGCTCTGCTCTC  
TCCGGTCTCGCCTTTGAAAGTGGTCCAATAAATTTGAGGGAGAGCTGAAGGAGGGGAGCCTTCCTCAAGTA  
CTCATAAACCTTACTCATGGACTCAGAACTCCAGTATAATATATCTAGATTACCGCGGGGCACGGGTTTTTC  
GTATGCTAAACCTCAAAAAATCATGAATCAGGAGATCACGAACAAGTTCAACATTGCCTTCAATTTTTGAAAA  
AGTGGTTCGACGATCATTCAGAATTTATATCTAATCCATTTTATATTGCTGGAAATTTCTATTCTGGTATGATTG  
TTCCGATGGTTGCTCTAGCAATTTTAGAAGGAACCTACAAACATATTTTTTCATTTATAAATTTCCAGGGATACA

TATTGGGGAATCCTATCACTACTCCTAATGCAAATAAAAAATTTAAAATTCCATTTGCTCATAATATGGCCCTCA  
TCTCAGATGAATTGTATGAGTCGTTGGAAAGTAGTTGTCAAGGAGAATATGTAAACATCGATCCTAACAATGT  
GGAGTGCTTAAACATTACGATACATATACAAAGTGTACTTCTGCAGTTAAAGTTGGATGTATTTTGTGGCCCA  
ACTGTCCATCTTTCAAAGAACCAACAACAATGTCCAATCGAAGATCTCTCAACAGTATTTCTGTTATCCGAAGA  
TGTCGTCAATATGACTCCTTACTTGCTTACTATTGGGCCAACAATGACCAAGTTCAAAAAGCACTTCATATACAT  
GAGGGAAGTATCGAAGAATGGATTAGATGTCGTGACAATGACTATTACAATTATGAGTTGACCAGTGTTCCTC  
CTTATCACGTGAACCTTAGTTCTAAAGGTTATCGATCATTAACTATAGCGGAGATCATGATATGGGAGTGGC  
GCATATGGAACTCAAGCATGGATCAAAGCTTTAAATTATTCTATAGTAGATGATTGGAGGCCTTGTTTCATC  
GAGGATGAAGTTGGCGGGTACACCAGAAGTTTTGCAAACAATATGACATTTGCAACTGTAAAAGGTGGAGGA  
CATACACCAGAATATACACGAGAAGAATCCAGCATACTTTTTAAGAGATGGATAGTGGGAGAATCCTTATGAA  
CTTCATATTCTAAGTATCCAACAATATCTATTTCCACTTAAATTTTCAAAGTTTGCTGCCACCAAGGATTACAA  
TTTTAGACACTAATGTTTCCTTTGTGTGTTAACGAAGTTTCATGAAGTAAATTTCAATATTTATGTCTGTGGTTC  
AAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_279 XM\_002889980|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata synaptosomal-associated protein  
30 (SNAP30), mRNA

TTTTGTCAAAGACTTCTTAATCCTCAAGTTGTTCCAATTCCTGCTGATTCTTTGGCCCAGGTCTTCCTTTGACTC  
TTTCCCTCTTTCAATTCCCTTCTTTCCCTCAAACCCAGTTCAAGTCTTCGCTGATTTATCAATTATACTCTTGATC  
GTCTTAGTTCTTTGATTCTGAAGGGTGGAAATTTGATCTTCATAAGCATTAGAATCATTCTACTTGTCAAAAAAC  
CATCAGCTGAATTCAGCATTTCATTTCCAGAAATGTCACCTTTTAGGAAATCCCCTATAAATGTTGTTAGGCA  
CAGCTCAAACCAACCTGCTAATCCTGCTCGTTCCAGTCCAAACCTGGTTAATTCAAACGATAATTTAGACAAGA  
GGCAAAGCAGTCCTCAAGAATCACCTCTTCTCATCAGGAACTGCTGCACCAAATCCCAAGTCAGCTCTTTTC  
GACGATCATCTTGAGAAAGGGACTGATTCTTCATATTCTTCATCTTCAAGTTCATATTCATGGTCATCAAGAAA  
CAGATACAAGAATGATTTCCGGGACTCAGGTGGGATTGAGAATCAAACAGTGGAGGAGTTGGAGAATTATGC  
TGTTTACAAGGCGGAGGAGACAACCTAACTCAGTCAACAACCTGCCTGAAGATTGCTGAGGATATCAGAGAAGA  
TGCAACCAAAACCTTAGTTGCCTTGACCAACAGGGTGAGCAAATCACTCGAACCACATGGTCACTGCTGAT  
ATTGACAACGATCTTAGTCGGGGCGAGAACTTCTAGGAAGCTTAGGAGGAATATTCTCTAAGACTTGGAAG  
CCAAAGAAAGGTGCTCAGATAACAGGCCCGTTATCTTTGAAGGGGATCATGCTGTTATAAGCAAAGGCAAC  
CATTTGGAGCAGAGAGAGAAAATTGGGGTTAAGTCGAGCACCAAACCCACGGTCCTCACGTGCCCCACATCCC  
GAGCCAACCAACTCACTTCAGAAAGTTGAGGTGGAAAAGGTGAAACAAGAGGACGCTCTTTCAGATTTGAGC  
AATATATTGGGAGAGCTTAAAGAAATGGCTGTTGATATGGGATCTGAACTAGACAAGCAAATAGAGCTCTG  
GATAACTTGTTTCATGATGCTAACGAGGTCACAATCCGTGTCGATAATGCTAACCAGCGTGCTCGCCACCTGCT  
TAGAAAGTAGAATGCTTTGCAAGGTCTCATCTCACTTTTACCATCAACAAATTTGATGGCTTATGCCTGGCTGG  
ATTGGCTTCCCTTTTGGTTTACAGTCTCTTCTGTCTGTTTTTCTTTCATCCAAAAGGAAAAACATATACTTTTTCT  
TTCCCTCAAACAGTTGTGAAATAGTTTGGTTCAATTATATAATTTGTAGACAAATTACATGTTTTTCTTCTACCAT  
TCTCTTATGTGTTGTTAGTTTTCTTTAATGAACTCCAAAAAGGAAAAAAATACATTTGGACTCTCAATCTCTG  
TACTTTTACTTTGGTTTCATTTTGATCAAACATGTTTTCATTTTGATCAAATATGTTCTTTTGGACTTTGATACTCTTA  
TAAAGTGGTCATTTTAAGCCAAAAA

>trans\_c\_280 EU219610|Gossypium hirsutum gland development-related protein 1 (GDRP1)  
mRNA, complete cds

AAGGGAAAAAGAAAAACCCTACGTTATACGTAGTACTGTTTCTTCTCCTCTTCTCCTCTCCCTCTCCCTCTCCCTCCC  
CCTCCCCCTCTCACTTGCTCCTCCTGATTTCCCTCGCCGTCTCTAATTGTTGCTGATTTTTGTTGTGCAATTATA  
CTCTATATCGGCCTCTCATAGCCTCAGCTGTGTCGCTTGCCTTTGAACTTTAGAGGCTCCAAGCAGGGAGTAAC

GCTCTCTTGGTAGTTGGTACGGACTTCCCATTGTGTTGATACGACCAGAGTGTTAGACGTAGGCATGGAAATA  
AACCTTGCAGACATTCCTTTGACTTGGACTTCCATCCATCCGATCAATTGGTTGCAGCTGGTGTGATCGGGGG  
CAATCTCCACTTGTACCGTTATGATGCAAAATGCTTTACCCAAAAGCTTTTAAAGTTGAGCGCATGTCAAATC  
TTGCAGAGCTGTTAGATTCATCAATGATGGGCGTGCAATTTTGACAGGTTCCCTCAGACCATTCCACTCTATCTA  
CAGACGTGGAGACTGGTTCTGTTATTGCTCGTCTTGAAGATGCACATGATGAAGCAGTCAGTAAACTGATCAA  
CATAACCTCGGAAACAATTGCTTCAGGGGATGACAATGGTGCCATCAAGGTATGGGATACCAGACAACGTTCT  
TGCTGCAGTTCCTTTCAAAGCCCATGAAGATTATATTTTCAGATATGACCTATTCATCTGATTCCACAAAAGCTTTTG  
GCAACAAGTGGAGATGGGTCTCTATCTGTATGGAATCTTAGAAGAAACAAGATCCATGCTCGATCTGAGTTTT  
CAGAAGAAGAACTACTATCTGTTGTTACCATGAAAAATGGACGCAAAGTCATCTGTGGATCACAAAATGGAAC  
TCTATTACTGTATTCATGGGGTTTCTTCAGGACTGCAGTGATCGCTTTGGTGATGCCTCTCAAAATCCTGTGA  
ATGCATTGCTAAAGCTTGATGAAGACCGGGTCATTGTTGCATCTGAGAGTGGACTCATCAGTCTGGTAGGTAT  
ATTGCCCAATAGAGTAATTCAACCAATTGCAGAACACTCTGACTATCCTGTGGAGCGTCTTGCTTTCTCCCATG  
ACAGAAAGTTTCTCGGCAGTATTTACATGATTACATGATAAAGCTGTGGGATATGGATTTATTGCAAAGTTCT  
GGAAATGCCCGACTACAGTAGAAGCAAGTGCAAGTGTCAATAGTTTTACTTTCACGGAGGACTAGAAGAAA  
AAAGATCCGAGGAAAAGGACCAACAATAGTAATGAGAACAATTGTCATTTTGTACTATATTTAGGGTTTA  
GGGTTTAGCCTCATAACATGTTAAACTCTAAAGACATTATTTTTTTACAAAGTTTTGCCATATTCTCATTCTCATT  
TAGGATAGCATCAATTTATATGATCTCAAAGCAGACAAATAATTATGATGTGTTTTTTCGAGATGGTGCCAAAC  
AAGTGATTGTTGATTTTCTCTAGAATCTTTTAAAGATATCCAATTGAAGTGCTTATTTGAATTTGCTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_281 GQ386815|Cucumis melo var. inodorus cultivar Honey Brew 13S-lipoxygenase  
(LOX2) mRNA, complete cds

GATGAGGCATTAAATCAAAGGAACTATTCATATTGGATCACCATGATGCATTAATGCCATATCTTAGAAAAA  
TAAATTCAACAAAAACAAAAGCATATGCCACAAGAACATTGTTATTTTTGAAAGAGGATGGAACTTTGAAGCC  
ATTGGTTATTGAGTTGAGTCTGCCACACCCTCAAGGTGATCAGTTTGGTGCAAATAGCAAACAATATTTCCAG  
CTGAAGAAGGAGTTCAAAAGTCAATATGGCAATTGGCTAAGGCTTATGTTGTTGTCAATGATGCTGGTTACCA  
TCAACTTATCAGCCATTGGTTGCATACTCATGCAGTACAAGAGCCATTTGTGATTGCAACACATAGACAATTGA  
GTGTGCTTCATCCAATTCATAAGTTACTTGTTCTCATTACAAAGACACTATGTTTATCAATGCATTTGCAAGAC  
AAGTTCTTGTTAATAGTGATGGTCTTCTTGAACAAACTCATTTTCAATCAAAGTACGCCATGGAATTATCTTCTT  
ACATATATAAAGAATGGAATTTTCTTGAGCAAGCGCTCCCTGCTAATCTCATCAAGAGAGGTGTAGCGATTGA  
GGATGCAAGATCAACACATGGACTTAAGTTACTCATAGAGGATTATCCATTTGCTGTTGATGGGCTTGAGATT  
TGGTCAACAATCAAAACATGGGTTACAAACTATTGCTCTCTATACTACAAAGATGATAGTGCAATTCAAAATGA  
TGTTGAACTTCAATCTTGGTGGAAGAGGTTAGAGAGAAAGGTCATGCTGATAAGAAAAATGAAACATGGTG  
GCCAAAGTTGCAAATTTCAACGAAGTACGAAACATGTACAACTATCATATGGATATCTTCGGCTCTTCATG  
CTGCAGTTAACTTTGGACAATATCCTTATGGAGGCTTTATTCCGAATCGACCAACCATAAGTCGTAGGCATATG  
CCTGAAGTAGGAAGTGTTGAGTATAAAGAACTGAATCAAAGCCTGAGAAGGCTTACTTGAAAATAATCAATT  
CGATGTTGCAAACACTTCTTGAGTTCCTTAATTGAAATATTGTCAAGGCATGCTTCTGATGAAGTTTATCTT  
GGACAAAGAGCTAGTATTGAATGGACTTCAGATAAAGCTGCAGTGGAAGTGTGAGTATTTTGAAAAGAG  
GTGTCGGAAGTTGAAAGTAGAATTATCGAAAGGAACAAGGATGTGAATCTCAAAAATAGAAGTGGAACCGTT  
AATGTTCCATATACTTTGCTTCTCCATCAAGTAGTGAAGGACTCACAGGTAGAGGTATTCCAAATAGCATCTC  
TATTTGAAGAGATCAACTCTATGTTTAACTATCTATATTATTATTGTGTGGTTACTCTAAATTTATCCCCAGTA  
ATTTGTGTGTAGCAAAAAGCTACTTGAGCTACTCGATAAATAAATAAGATGAATAAGAGTGCTTACTAAAGTA  
GCTATTTACTATGGTGTGTTCCAGTTTAACTTTGGTCTACATGTAATGAAGGTGTGTTGTACTTATAGCTTTTT  
TCTATATGTAACGAAGGTGTGTTGTACTTCTC



>trans\_c\_282 DQ437514|Hevea brasiliensis 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate reductoisomerase (DXR) gene, complete cds

AGGTTCTTGCTCCGCCTGAAATCAAGGCACCCTCCTTCTTGAATCCTCTCGCTCCAGACACCTCACCAAACCTC  
AAGTGGATCATCCATTAAGGACTGCAGAACTATAGTTCATAAAAGAATTCAGTGTCTTCACAGCCTCCTCCT  
CCAGCTTGGCCTGGACAAGCGGTCGTACCGCCGGGTATAAGAAATGGGATGGCCGGAAGCCTATCTCCATT  
CTAGGATCCACTGGTTCATTGGAACCTCAAACATTGGATATTGTGGCAGAGCACCCCGAGAAATTTAAAGTTG  
TGGGACTGGCAGCTGGCTCTAATAAATCTCCTTGACAGATCAGGTGAAAACATTTAAACCTCAATTAGTTGCT  
GTTAGAAATGAGTCCTTAATTGATGAACTCAAAGAGGCTTTGGCTGATCTTGATGAGAAGCCTGAAATTATCC  
CTGGTGAGCAGGGAATAATTGAGGTTGCAAGACACCCGGATGCAGTCACTGTTGTTACAGGAATAGTAGGCT  
GTGCTGGACTAAAGCCTACTGTTGCCGCAATTGAAGCTGGGAAAGACATAGCCTTGCCAATAAAGAGACTC  
TTATTGCTGGTGGTCCCTTTGTTCTTCCCCTTGCCCACAAGCACAAATGTAAAGATCCTTCCCCTGATTGAGAAC  
ATTCAACCATATTCCAGTGTATTGAGGGATTGCCCGAGGGTGCACCTTCGCCGCATTATTTTGACCGCTTCTGGT  
GGGGCTTTCAGGGACTTGCCAGTTGAAAAGTTAAGGACGTTAAAGTTGCGGATGCTTTAAAGCATCCTAACTG  
GAGCAGGGGAAAGAAGATCACTGTCGACTCTGCCACTCTTTTCAACAAGGGTCTAGAAGTCATTGAAGCACA  
CTATTTATTTGGAGCTGAATATGATGACATTGAGATTGTAATCCACCCACAGTCCATCATACATTCTATGGTAG  
AAACACAGGATTCTGTTTTAGCACAAATTGGGTTGGCCTGATATGCGATTGCCCATAGCATACACCATAACA  
TGCCAGAAAGACTATACTGCTCCGAAGTAACTTGGCCTCGCCTTGATCTTTGCAAGCTAGGTTGCTCACATT  
CAAACTCCAGACAATGTAAATACCCATCCATGGATCTGGCATAACGCTGCTGGACGGGCGGGTGGAAACCAT  
GACTGGAGTCCTTAGTGACGTAACGAGAAGGCGGTGGAAATGTTCAATTGATGAAAAATCGGCTACTTGGA  
CATTTTCAAGGTTGTGGAGCTAACATGTGACAAGCATCGAAACGAATTGATCACAACACCTTCCCTTGAGGAG  
ATCGTACATTACGACCTATGGGCTAGGGATTATGCTGCAAGTTTGCAATCATCTTCTCTTTTAGTCCCGTAGC  
CGCATAACCATTCGTATTGGCAGAGCAACAAGGTAAACCTTGACTGATGCTATGATGACAGCTTGCAATTTT  
GTTTGTATCTTATAAAATGGCCTAGCAAAAAGGTAGCTTATAAGGGATCAGTTATGAATTAATAATAATAC  
TAATGAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_283 AB254852|Vicia faba VfPP1c-4 mRNA for catalytic subunit of protein phosphatase 1, complete cds

CCCCGTTTCCCTTTCTTCTCAGATTTTTCTTTAGGGTTTTCTCCAATTCACCTCAATATTCTTCAATTGGAATA  
TATTCTTCTTTTTCTCAATTGATCTCCACCATTCTTTCCATTTACCAAGTGAGTTCTCAATCCAATGGCCAA  
ACACAAATACAAATATAAATCTACACTTCATGTTCCATTTTGCTTCATTTCAAACACCCTTCTCTCCATTTC  
ATTTCTTCTCCCCATTTTTCTTCTCCAAGTCATTCTTGTTTTCAAATCAACAAGCCCTCAAGATCCAAGAA  
CTCTGAGATGGAATCTGCTACCCTTAATAGAATAATTAATAGGTTGGTTGAAATCGGGACCAGATCGGGGAA  
GCAGGTGCTGCTTCTGAGGCTGAAATTACCAACTATGCATGGCTTCCAGAGAAATTTCTTAAGGCAACCTA  
ATCTTTTGAAATTGATGCACCTATCTATATCTGCGGGGATATCCATGGCCAGTTTTCTGATCTTCTAAGACTTC  
TCGAATTTGGTGGATTTCCTCCTCATTGCAACTACTTGTTCTTGGGGGACTATGTGGATCGAGGAAAGCAGAG  
CATAGAAACGATCTGCCTCCTCTGATATAAAATAAAGTATCCTGAAAACCTTCTCCTTTTGAGGGGAAACC  
ACGAATGTGCATCTGTAAACCGTATTTATGGTTTTATGATGAATGTAAACGTAGGTTCAATGTCAAACCTGTGG  
AAAAATTCACGGACTGTTTCAACTGTTTACCTGTGGCTGCTCTAGTTGATGAAAAGATACTGTGTATNGCATG  
GTGGGGTATCTCTCACCTTGACAGGTTAGATCAGATTAGGAATTTAAAGCGCCCTGCCGATGTTCCAGAATC  
AGGTTTACTCTGTGATCTTCTTGGTCTGATCCAAGTGTAACACACGTGGCTGGGGACCGAATGAACGAGGG  
GTTTCATACACCTTTGGTGCAGATCGAGTAGCAGAGTTTCTCGAAAACATGATCTTGATTTGATTTGTAGAGC  
TCACCAGGTCGTGGAGGATGGGTACGAGTTTTTGTCAAATAGACAACCTGTAACCTTTGTTTTCTGCTCCAACT  
ATTGTGGAGAGTTTGACAATGCAGCTGCAATGATGCATGTGGATTCAAATTTAATGTGCTCTTCCAAATACTA  
AAACCACCTGAAAAAAGCCAAAGTTTGGGTTTGGCAGCATCTCGTCGGGGCGATATGGTGGTACAAAAA

GTAAAGTCGTTTCTTGGCTCAATCGGGTGAACTTTTTAGCTTGTTCAAGTTTGTTGGTTGGTCCGAGGTTT  
ACCTCCTTGGATGAGTTTTGATCTCCCGTGGCTTCTTCTTACTGAAATGTGACATCTGATACAGGCTTCCACCA  
TTTTAGTGTAACAAATGGTATGAGTTATTTTGACAAGAATTCATGCTTTTTTGCCCTTTCTTACTTGTGGGTTT  
ACTAAAGCATCTATTGAGAACAAAATAATTAGAAAAAGACATGATATTTTCGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_284 NM\_106173|Arabidopsis thaliana SEC14 cytosolic factor family protein /  
phosphoglyceride transfer family protein (AT1G75170) mRNA, complete cds

AAAGAAGAAGGGGGTAGGAGAACGAAAGTCAACCACCCGTTGCTGAAAATCGGTTGGAAAAGTGAAAACCTA  
ACGCCGGAATCTGTTTGAAGCAGCTTTTAGAGAGGGATCCAACCTGGTTGGACTGAAATTTGAATCCCTTTTCA  
CCCGAGGAGTTATCGCCGGCATAATTTTAAGCCTAATTATTTGGAATTTGCTGCCGATTTTTGGTGGTAATTCC  
TTTCTACTGCTTTGGAAGTCTTCTGTGCGCAAATTACCAACGTTTTTGCTAGTGAAGACTCTGGCTCCATCTTCC  
AGAAGTTCATATCAAACCTTTAGGCTATTCTTTTTATGAGGAAGCAAAGAATTTATGTTAGTTAGAGTGTAACA  
GGTTCGTGATCGCGCAGCTATAATGTTTGCCGACGGTCTACTTCTCATCACGAGGAAGAGAACAATCCAGAA  
CAGATCACATCGAAGGTCAATGAGCTAAAGGCTAAGTTAGGACCCTTAGTTGGGCGCAATGCAATATATTGCA  
GTGATGCGTGTTTGAAAAGATATCTAGTGGCCAGGAATTGGAATGTAGACAAAGCGAAGAAAATGCTGGAA  
GAGACATTCAAATGGAGATCTATCTATAAGCCTGAAGAAATTCGTTGGCCTGAAATAGCATTTGAAAGTGAGA  
CCGGAAAACCTTTATCGAGCAAGTTTTACGATCGAGAAGGAAGAACTGTTCTTATAATGAAGCCAGGAAAGC  
AGAACACGACGTCATTAGAGAATCAGATTCGGCATTGGTCTATCTTATGGACAATGCTCTTCTTAACCTTCCT  
GAAGGTCAGGAGCAGATGTCATGGCTGATTGATTTTAATGGTTGGTCTCTTAGCACCAGTGTGCCAATCAAAT  
CCGCACGGGAGACTGTCAACATCTTGCAAGATCACTATCCAGAGAGATTAGCCCTAGCGTTTCTCTATAACCCC  
CCAAGGATATTTGAAGCATTCTGGAAGGTAGTCAAGTACCTTTTAGATCCGAAGACATTTAGAAAAGTGAGAT  
TTGTTTATCCTAAGAAGCAAGAGAGTGTGGAATCATGAAGTCATATTTTGATGAGGAGAATCTTCCATCAGA  
GTTTGGAGGAAAAGCCCAACTGGAATATGTTACGAGGAGTTCTCTACATTAATGATTCAAGATGATATTA  
TGTGCTGCCTTCTGGGAACAGGATGAAAAGCAACACCATACTGTCAATGGCTACTCGAGTGCAGTGGTGACTC  
CAGAATGAGTGTACTTTTTAGCAACATTTCAAGTTACAGGGATTGCCACCTGAATTTGCGGCTGACACCTGAAA  
ATGTGTTTCATTTATGAACCTTTTCATGGTCTACAGAAGATATACAGCAAAAAGGTTTGATGTAAGCCCTTAATT  
TCTACTAATCTTGCATTAATTACAGATGATGGAGAGATTCTGTTCTAATTGGTAATTGTAAGTGTGGTTAGGAGAC  
TCTGAATTATTCTGTAAAAGGATTGATCAATTTGATCAACTTATAGAGATCCAACCTATCCAAAAATAATCTTCA  
TTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_285 XM\_002299921|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP87D5), mRNA

AAACTAGAGTTGAAGTTCATCCATTCCTTTCAATTTATCGCGTCGTCATTCCAAGCTCGTCTTTTGATAGAAATT  
GCCTACTATAGATCACAATGTGGACGATCTTGCTTGGTTTGGCGACGTTGGCAATTGCCTACTATATCCATTGG  
GTTAACAAATGGAAGGATTCAAAATTCAACGGAGTTTTGCAGCCGGGCACCATGGGGCTGCCCTCATCGGA  
GAAACCATTCAACTTAGTCGGCCTAGTGACTCCCTTGACGTTTCATCTTTTATTCAAAGCAAAGTTAAAAGATA  
TGGACCGATCTTCAAGACTTGTTTGGCGGGAAGGCCAGTGGTGGTTTCAACGGATGCAGAGTTTAACCATAC  
ATAATGCTTCAAGAAGGAAGGGCTGTAGAAATGTGGTATTTGGATACACTCTCAAATTCCTTGGTCTCGACA  
CTGAATGGCTCAAAGCCCTCGGCCTCATCCACAAGTACATTAGAAGCATTACATTGAACCACTTTGGCGCCGA  
GTCCCTTCGTGAGCGTTTCTTCTCGTATCGAAGAATCTGCTCGAGAAACCCTTCATTATTGGTCAACTCAACC  
CAGTGTTGAAGTCAAGGAATCAGCCGCTGCGATGGTTTTAGAACTTCGATTGTTAAGATGTTCAAGTGAAGAT  
TCTAGCAAATTACTGACAGCAGGTCTACTAAGAAGTTCACAGGACTTCTCGGAGGTTTTCTCACCTTACCTCT  
AAATGTGCCTGGCACTACCTATCATAAATGCATAAAGGACATGAAGGAAATCCAAAAGAAGCTAAAAGACAT  
TTTAGAGGAAAGATTGGCTAAAGGGGGTAGCATTGATGAAGATTTCTTGGGGCAAGCCATTAAAGATAAGGA

>trans\_c\_286 AB442083|Glycine max mRNA for peroxisomal adenine nucleotide carrier 1, complete cds

>trans\_c\_287 AB433897|Nicotiana tabacum NtJAZ2 mRNA for jasmonate ZIM-domain protein 2, complete cds

AGATCCAAATACTCTTCTCTGCTTTTTTTCTTGCTGCTCTTCTCCTCTTCATTTCTTCTTTTGCCCGCC  
CTTTGTTTCAGATTTTCTCCTCTCGGTCTTTTTTTGTTCAATTTGTGTTGCCGTCCGCTTTTTGGTCTCAAAT  
GGAGATGGATTCTTGGGTTTGAGCTCTAAGGAGCCATTGGCTGTGGTGAAACAGGAGATTGACAACGATGG  
AGCGCAAGATTCTGGGTATACTAAAAGCTCTGGTGTCCATGGTCCTTAACAAGGCCTCTGCTCTTCTCATC  
TGATACCTTTCAAGATTTCTGCAGACGACAAGACTTCAAAGCTCGGTTCTGATCCAGTCGGGGCTACTTCAGAT  
CAACGAAGAGCAGCAGAAATCCAGAAAACGTTCAATCACGATAGGCAAGGTGTTCAAATCAAGGTATATCT

>trans\_c\_288 NM\_121565|Arabidopsis thaliana proteasome family protein (AT5G15610) mRNA,  
complete cds

>trans\_c\_289 XM\_002882615|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription initiation factor IIB-2, mRNA

TCCCCTTTCAATTTCCCTCCCTCATCGTCGAAATCTATTACCGACGCCTCGCCTGAGCAGCCAATACCAATTTCTC  
CCTGGAACCAACATTCATCTCTCTTCTGCTCTCCAATTCCCCGCTTGCTCAAGCTTTTTTTAGGGTTTAGAAGAG  
CCCAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGCTGGTTGTGAACAATGTCTGATGCGTTCTGCTCTGACTGCAA  
GCGTCAGACTGAGGTTGTTTTGACCATTCCGCCGGAGATACGGTGTGTTCCGAGTGTGGTCTTGTCTTGAA  
TCCCACTCCATCGATGAGACCTCCGAGTGGAGGACTTTTGCCAATGAGTCTGGGGATAACGACCCGGTTCGTG  
TTGGTGGACCCACAAATCCTCTTTTGGCTGATGGTGGACTTTCCACGGTGATTGCGAAGCCTAATGGTACCACT  
GGGGAGTTCTTGTCTCTGCTTTTGGGTGCGGTGGCAGAATCGTGGCTCCAATCCAGATCGAGGGTTGATTCTTG  
CTTTCAAGACCATTGCTACTATGTCTGATAGGTTGGGCCTTGTTGCAACCATAAAGGATCGGGCCAATGAGAT  
ATATAAAAGAGTAGAAGATCAAAAATCTAGTAGAGGAAGAAATCAAGATGCTTTATTGGCTGCTTGCTTATAT  
ATTGCTTGTGCAAGAAGATAAACCCCGCACAGTCAAGGAAATTTGCTCTGTTGCCAATGGGGCAACAAAG  
AAGGAGATTGGGCGAGCAAAGAATACATTGTGAAACAGTTGGGGTTGGAGACGGGTCAGTCTGTAGAGAT  
GGGAACAATTCATGCTGGAGACTTTATGAGGCGTTTTGTTCAAATCTTGGGATGAATAATCAAGCTGTTAAA  
GCTGCCCAAGAAGCTGTACAGAAATCTGAAGAGTTTGATATTAGGAGAAGCCCAATTTCCATTGCAGCAGCA  
GTTATTTATATTACTCAGCTTTCAGATGATAAGAAGCCTCTGAAAGATATATCGGTAGCTACCGGTGTTGC  
GGAAGGAACAATCAGAAATTCATATAAAGATCTCTATCCACATGTGTCGAAGATATTACCGGGTTGGTATGCT  
AAAGAGGAGGATCTTAAGAACCTCTGCAGTCCTTAAAATGTAGAGCAAAGCGACAACGACGTATGACAGGGA  
ATTTAATCGAAATTGAAATTAATCTTTTTCTTTAGCCTTCTGTACTTAAAACTCTTTGAGATTTGCAAAGAGTG  
CTAGAAAGAAAATCTCCACCTTCTGCTTCTCCCTTCTCTAAATAGATTTATTGCCATTATCAAATTTCTAAATGACC  
CCCCAACTTGCCCCATAGTTTTACCTCAGTTCACAATGAAAAGTTATCCAAAATTTTGATGCTCTCATGAC  
TTTATCGATATCAAATTTAGCATTTCCTCAAGTTTACACCAATTTTAGCGGTTCTTATGGCTTCCAAAGGGTT  
CAAAGATGGTTGGTATTTCACTTTGCTTTCCATTGTTCATTTTTTAATATTATTTTTTTTTTCCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_290 XM\_002306244|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC043),  
mRNA

AATCCCACCCGCCGCTCATCGGAGGAGATCAAGATTAGCCTTTTCCACCACCACCGTATATCAACAAACACAG  
AGAGAGATATAGGCTTCGAGGCCAAGTTTAAAAAGAACAGCAGTAAAGCGCTAGCAAATGACCGTAGCTGG  
GCTCGAGTTACCTCCAGGCTTCAGATTTACCCTACTGATGAGGAGCTAGTCCTTCACTACCTCTGCAGAAAGT  
GCTCTTCTCAACCCATCGCCGTTCCATTATCAAGGAGATTGATCTTTACAAATACGACCCCTGGCACCTCCCTG  
AATTGGCCGTCTGTGGTGAAAAGGAGTGGTATTTCTTCTCCCTAGGGACCGTAAATACCCTAACGGCTCCCG  
CCCCAACCGCGCCGCTGGAACAGGCTACTGGAAGGCCACCGGTGCTGACAAACCCATCGGCCGCCCAAAAC  
TCTTGGTATCAAGAAGGCACTCGTCTTCTACGCCGGAAGGCCCCAGGGCGTCAAGACCAATTGGATTATG  
CACGAGTATCGCCTCGCTAACGTGATAGATCTGCTGCCAACAAAACCAACAACCTTGAGATTGGACGACTGGG  
TGCTATGTCTGATCTACAACAAGAAGGGTTGCATAGAAAAGCATTACCAATCCACCGACGACAAGGCAGCCG  
AATTCCTGATTTGAGGATGAGAAACCAATATTACCACCAACAACATGGTACAACCTCCCTCTCCACAACCAG  
TTGCAAATGGAGACCTCCGACTCCGTCCCCAGAATGCAGACCGAATCCTCCAGTGGCTCGGATCTCGTGACGT  
CGCCGGAGCTCACCTGGGATAAGGAGGTCCAAAGTCAATCCAAATGGGAAGGAGAAGGAGGAGGAGAAAG  
AGCAGCAGTAGCTGATTTGCACTTCTTGAGTTCAATTACATGGATTCTTCTCCATGCCAGAGGACGTTCCAT  
TTGGAAGCCAGTTTCACTTCCAGATGGACCATTTGTCGCCATTGCAGGACATGTTTTCATATCTACAGAGGCA  
GATTTAACCACCACCGCCGCCGAGAAGCAACAGCGGTAAAGGCATAGACTAAGGGGATGCATTCAACCCCG  
TCGCCAGGCTTCATCTCTCTACCATATATATAACATATTATTCATATTTTACACAACGGTTAGCAAATCTTTG  
ATAAGCCGAAACCAATATGGCCAGAAAAGTATTGTTTGTGGGTCTCTCCTCTTCTCTTCTTTGTTGTAATGA  
AGAATGTAGTTGATTAGAAGAAAATTGAGCTATGCTTCCAAAGTTGATTGAACTTCGATTCATCCTCCTCAAGC  
CAAAACCAAGAGGAGCGATGGTAGTGACATTACAATTTGCCAACACAGGCCTTAGTCCTGACACCTCGACCCA  
CTAGTCATTTAAGCATTGTATATTCCAACGCTGCCTGCAATCAACGAAACCAATAGTGCTGCACCAGTCATG

GATGTGAAATCTAACTCATCTCATCTTTGTAATTCCAAAAGCAGAGTTAATAAAAAATGTCACTTCTAATTCTAT  
TACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_291 AY942801|Cucumis sativus male-specific 10-2 (M10-2) mRNA, complete sequence

ATCCGAGATCTGTTTCCCTCGTTTCCCTTCATTGACTCTGATTTTTGCTCTGCGGGCCCTGATAGATTAGCGTTTT  
TGATCTGTCGTCGCGGAATATTGGACGCCAATGAAAAATCCGGCCAGTATGGTTGTTCCCTTGTCTTCCCT  
TGTTTTTCTTGTTGGTGGAGATCCAAGTTCAGGTTCTGTCATATAAAATTTCCAGATCTAGTTGTCTATCCACCG  
TCTTCAGTTTGATGGGGTCGGTGTTCAGTGCGGTGTAACGTCTGTCGTAAATAACAGGGTTTTGACCAGAT  
GATCTAGGCCCTTCTGCGTGTATTACAAGTCTGCATGGATTCTTAATACAAGGCAAATGGGGAATTTCTTTA  
TAAAAGCGAGGAGAAAAACAATCTCTCGGATTGCTGCTACCTTGAGTGGTTTTTGGCAGTTACCTTATGTAATT  
TCATCAAGGGAAGGTTGATTTGATTAGAGTATTGTCGTGGATGTATAAGATATCAGACCGAACCACCTATTTT  
ATTAGGGAGGCGGTTTCTGATCGATCTTTGTCATCCGACCTTGCCATGACAGGTGCGTTGCATGGCAGGTC  
AACTACGTTAATGAAAAAAAGTTTTTGGGTTTTGAGGAGGGATCGCACGGGGATTGCCCGGGGTTCTTCT  
CTTTGGTGTGTGCCGTTTCTCTCTCTTTTATCTCTGTGCATAATATTATGCGTTGCTGCCCGCAGTTGCTTGC  
ATCCCAGGGATTGCTTGCTCGATCGTTCTTGCCCAACACGTGCCCGTTCTTGCTCAATTTTTTATCTCAAATG  
AATTCGTTGGCAAAGTAAAAACAGTAAAAACAACAGCGTTGGTAAGTAGAATAATATTAATCTGATTAGG  
CTTCTATATATTCGCCGGTACAAAATCTCTATACGTTGCTTAGCATGGTCTCATTAGTATTCGTGCGCTTTTTAT  
AGTGTAGTTCTATCTGTTCTCTGGCTACATGGGTAGTCTTACTGAGAGTTGTTGTGTTCCGGTTAATAACAGC  
TATATTTCTAGGGCTAAACCGAAGTTTCGTCTCTCACAATTGCTAGTCGTGTTAATTTTTAATCAAATCCA  
AATGGAACATTTTTCCGGTTAATTTACAATTCTTCTTAGATTTTGAACCCCGTAAATGTGGAAACGTAGTAA  
AGAGAACAAGAACCCTACAAGTGAGACGAGTGTTTAATTGCTAGATTTTTAATGACCAGAATGAAAAAACCC  
AAAGGGTTATCAAATGGTGATGGATACTGGTTTTGAGAAGTTCCTGTTCAAAATATAATCAAACAAGTATTGC  
GTAGATTTAGTTGGTCTTTGCGTTCAGATTTTTGCTGGCAGCACACAAGGAAAATTATTAATTTCTCCAGAATC  
CTATTTGGCACTTCTCATTTATGTTGAATATATATATTGGGGGGATTCCGGGCCACAGGATTGAGTGAATTGTGT  
TTGTGAACGTTAAATTATGGTACTTTATGTAAACGTTGTTAGTCCAAGCATGAATTTGTATGTAGTCTGTATTTT  
GTTACAAC

>trans\_c\_292 AY037194|Arabidopsis thaliana AT3g51130/F24M12\_170 mRNA, complete cds

AATTTTCACCCACCTGTCTTCTCCAATCGCGAAACCGCGCAACAGAATTTTTTTTTTATCCATCCAATAATCC  
AAACAAAACGATGCAGCAGAGATCGAGAAGACGGTGTGAGGGCACGGCTATGGGTGCCATCCTCTCGAT  
CTTCAACCCGGCCTTGGCCTTGGCCCTTTCAATCTCGGAATGCCAATTTGTGAAGCATTTCACAAATAGAGCA  
ACGCCCCAATATCTATGATGTTGTCCATGTGAAATACTTTGATGAGGAGCCTCTGAACTTGATATCGTTATCA  
GCTTCCAGACCATGGCTTTCATCTTCGATTTGACCCGTGGTCACAGAGGCTACGTCTTATTGAAATATTTGAT  
GTGAAGCGACTTCAAATGCGATATGCTACTTCTGATTGGAGGACCATCCAATCTTGCTACCTTTGTAGCTGT  
GTATGCACTTTTTGGGCCAACTTTTACTGGAATTTATGACAAAGATAGGGGTGTGTACACTCTATTCTATCCGG  
GAATTTCAATTCATTTCCAATACCAACCAATATACAGATTGTTGCCATGATGGAGAAGCGGAGCTACCTTAG  
GAGTTTCCTGATGGCACAACCTCCAGTTGCCTGCCGTGTCTCCATATTTGATAGTTCTACCGTAAAAAAGGTTGG  
CATAGGAGCCTTAATGGATAAGGCTTCTGCTCCCCATTGCCTGCTGGCAGCCTTTATATGGAGGAGGTCCAT  
GTTAAGCTTGGTGACGAATTATACTTTGCTGTGGGTAGTCAGCATATTCCTTTGGTGCATACCACAGGATAT  
TTGGACAGAATTAGGTGCGCCTTGTGGAATCCATCAAAAACAGGTAGATCAAATGGTTATTCATTGGGCTTCT  
GATCCCCGTCCACGACAACCTTTGTGGCGATTACTTCTATAACTATTTTACCCGTGGTTTGGACATCTTATTT  
GATGGACAGACTCATAAAATCAAGAAGTTTGTTTTGCATACCAATTACCCTGGTCATGCTGATTTCAATTCATA  
CATCAAGTGCAATTTTGTAAATCCATGTTTCAGGTTCTTCTGATGAAACAACTGTAAAAACACTATAACCCCTA  
GCACGAAGTGGGAAGATGTGAAGGAAATCTCGGGGATTGTGGGCGAGCTGCCATCCAACACAAGGTTCA

ACAAACAATCCTTTTGGATCTACTCTCGTTTATGGTTATCAGAACATTGCATTTGAGGTGATGAAAAATGGTTA  
CATCGCCACAGATACTCCCTTCAAGTCATGATATATAGGCGCGTTCTTCCCCTAGACAGTTCGTTTCAAGCTAAT  
TATGAAGTTCATAAAGATGGCTTCTTACTCTGGTACATTTTATAATGGCTGGCCACAAAAAGCGAAATGATCAA  
TCACTATGGGTCAAGTCTGGAGCACTTCAAGCTGGTTAGCCTATGTGGGTTTTCTGAAATCTTGGCTATGTATA  
TTCCACCTTGTATGAAGCACCACTCAACTAGGCATTATTATCATGGTGGATAACATAATGATGTATATA  
ACTATTGATTTGTAAA

>trans\_c\_293 AF061240|Carica papaya glutamine cyclotransferase precursor, mRNA, complete cds

AAGACGAATCTCCAATGGACAATTCGGAGTCCATCAAATTCAACTTTAGACGGATCCTTAGTTTTTCTTTGGC  
TCCCAATTTGCATGCTCAACCTAATTCATTTCTCTTTTCTTCCCTATCAATGAACAATCCGCCGTCTAATGGCG  
GCCGGATCCTTGAAGAGAAGGCAGTCTAAGCGATCCATTTCCAAGCCTTCTATAGTCATGGCTTCTCGGCCTTC  
TTATCAATCTTTCCTCACCCATAGAAGCACTGCCCTCCTAGTTTCCATTTCTTTGATTTTCTTTGTTGTTCTGGTTT  
CCGGCATTTCTTTGAATGTATTGCGTAGATCGCCCAAATATGAAGTTCAATCGCCAATGATTTACTCTATTGAG  
GTGGTCAACGAATTTCTCACGATCCTCGAGCCTTACTCAGGGACTGGTTTATGTAGAAAATGACACCCTATT  
TGAGTCAACTGGCCTCTATGGACAGTCATCAGTTCGAAAAGTAGCTCTCTCTACTGGGAAGACCGAGGTTCTT  
CACAAGATGGATGACTCTTACTTTGGGGAAGGTTTAAACACTTCTTGGGGAAAGGCTGTTTCAAGTAACTTGGT  
TGAAGAAAAGTGGTTTCATATATGACCAAGACAATTTAAACGAAGTTAAGGAATTCATCATCAAATGACTGA  
TGGTTGGGGATTGGCAACAGATGGAAAAATTTTGTATGGAAGCGATGGAACATCAACATTATATCAAATTGAT  
CCAGAGACATTTATAGTTACTAATAAATGGGTTGTGAGATATCAAGGAGATGAAGTGCATAACCTCAATGAGT  
TGGAATTTATCAATGGAGAAGTCTGGGCAAATGTTTGGATGACAGATTGCATCGCCAGAATCTCTGTACGTGA  
CGGAAGCGTGCTTGGATGGGTTCTCCTCCCGACTTTGAGACGGAAATTATTGCAAGAAGGGAAACAAATTGA  
TGTTTTAAATGGCATTGCATGGGATAGTGGCAAGAATCGCCTTTTTGTGACAGGAAAGCTATGGCCGAAGCTC  
TATGAAATCAAAGTGCAGCCATCAAAGGAGAATTATGGTGATGAAAGGATAAAGCAGCTTTGCTTGCGAGAG  
GCAATTACGTTTTGACTAACATTATGGTCATGAACGAGGTTGACATCCACACGAGGTGCAGTCGATATATACA  
TGAAGTTCATATTTTTTTAGATAATATTCTGCCTGCACTCGGTGTGATAGCAAAGGAGACCACTTATCTATAT  
GATATGTTCAAGTTTCACTATATTACTAAAGTTATGTAATTATAGTCTAAATAAAAAAATACGAGGCAAGTAA  
TATTTGTAGGATTTGTGTTTATTGAATCCTTGTGCTTTGAGTACTTTGAATATAGGGTAGTTTTTTGTAATTTTTC  
TAATAGTCACAGCACATCATTAAGGCCAGTCTTAGGAATTAGAGTTGTTTGTATCTTCAGCACTAAGCACAAAC  
TCCCTGCTTTCTCAATCATTTTAAATTATTGTTTCATCATTATTTTCTTTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_294 NM\_001064360|Oryza sativa Japonica Group Os06g0548000 (Os06g0548000)  
mRNA, complete cds

CCACAGAACTTCAACTTCAACTTCAACTTCAAGCTTCAACGGTAGTATTTCTTCTTTGAACGATTGTAATGTGGAG  
GAGTTTGGTACTAACGAGAAGATGCATTTCAACTTCAACTTCAACTTCAAAGCCTCTTAGTCTCGGATGGTTTCG  
ATCACGTGAAACCGGCTCCGAAGGATCTGATCATCGGTGTTACCGAGGCTTTTTTTGGCCGATCCAAGCCCTA  
ACAAAATCAACCTCGGGGTGGGAGCTTATCGTGACGATGAGCGCAAACCGGTTGTGCTTCAATGTGTTAGGG  
ATGCTGAATCGAAAATTACCGGGAGCGAGTTCTTAGAGTCAATTTCTGCTGAGGTGAGTTCAAGATTTGTGGA  
GGAGAGTGTTGAGTTGATTTATGGAAAGAATTCAGATGTTATGAAGGAAAGGAGGTTGCCGGACTTCAGGC  
ATTGTCTGGGACTGGAGCTTGCCGACTGTTTGTGAATTTCAAAGGCATTTCCATCATGATGTTCCGATTTTCTT  
GCCTGATCCTACTTGGTCTAACCATCACAACTTTGGAGAGATGCTCAAGTTCCTGTGAGAACCTACCGCTACT  
ATCATCATGATTCAAAGGGTTTGAATTTTGGAGCATTTCATGGATGATATCAAGAATGCCCCAGAAGGTTCTTTC  
TTTCTGCTTCATCCTTGTGCTCACAACTTGGCATCGACCCAACGGATGAACAATGGCGAGAAATTTCAA  
TCAGTTTATGGTGAACCATCACTTTCCTTCTTTGACATGGCGTATCAAGGTTTTGCCAGTGGAGATCTTGAA

AGGATGCAAAAGCTATACGTATATTTCTTGAAGATGGACATATAATAAGATGTGCTCAATCCTTTGCGAAGAA  
TATGGGTTTATACGGACACAGGGTTGGTTGTCTAAGTGTTCTTGCCAAAGATCAAAAGCAAGCGATGATAGTA  
AGATCTCAACTTCAGCGACTGGCCAGGGCAATGTATAGCAGCCCTCCTATTCATGGTGTGTTATTGGTCTCAAC  
AATCTTGAGCGATCCACTTCTGAAGGCTGAATGGATTGAAGAACTGAAGGTCATGGCTGATCGCATTTCGATCA  
ATGAGAGCTAGTTTATTTATCATCTTGAGAAATTAECTCTCCTCACAATTGGGACCACATAGTTAAGCAGGTTT  
GAATGTTTTGCTATTCTGGATTGAACTATGAGCAGATTGATCAGCTGGCGAGAGATTTTCATATATATATGACT  
AGGGATGGACGTATAAGCATGGCGGGTGTGACGACGAGAAATGTAAGCTATTTAGCGGAAGCGATGCATCA  
AGTCAGTAGCTATGATCCACAGTGCCAATAAAGGTCTCGAATGCAAGTTTCTAGTTGGCCATCATCTCAAGAA  
TAGTTCAATTGATGAGGATTAGTTTCTTACTGTTCAATCTACCTATAACCGATTTGTATTTTTAGGCCAAATCTAA  
TAGATCAGCCAACAAGCCATTTTTTAATCAGCTTTAGTGGTAGATAATATATAGCTGGAAAAAAGAAGTAC  
ATTCTATAGAAGCAGAAAT

>trans\_c\_295 NM\_180529|Arabidopsis thaliana CAM6 (CALMODULIN 6); calcium ion binding  
(CAM6) mRNA, complete cds

CCGTCTCCTTCTCCTCCTTGTATGATTCTCCTATTTATATCCCCTTCTCTGCTTTTACTATTCTGACTTCCGCCTC  
GTCTGGATCTCTCCCTTCTCATTTTCATCCTCCTCCTTCCCCTTTCCTTTCTCATTTCCCTTCCCTCATCAATTTCCAT  
GGCTGATCAGCTACCGACGATCAGATCTCCGAGTTCAAGGAGGCCTTTAGTTTGTGACAAGGATGGCGAT  
GGCTGCATCACCACCAAGGAACTGGGGACTGTAATGCGGTCACTGGGCCAGAATCCAAGTGAAGCTGAGCTA  
CAAGACATGATCAATGAAGTTGATGCTGATGGAAATGGAACCATCGATTTCCCTGAGTTTCTTAATCTGATGG  
CAAGAAAAATGAAGGATACTGATTGAGAGGAGGAACTCAAGGAAGCTTCCGCGTGTTTGATAAAGATCAGA  
ATGGGTTTCATTTCTGCCGCTGAGCTCCGGCACGTAATGACAAATCTTGGTGAGAAGTTGACAGACGAGGAAG  
TTGATGAAATGATCCGTGAGGCAGATGTTGACGGTGATGGGCAAATCAACTATGAGGAATTTGTCAAAGTCA  
TGATGGCCAAAGTGAGAATCAATCGAACTGAAACCTTAAACCTTAATCTGCTTGAAAATGAAGAGGGATATGG  
GCAGATAAGTTGATGATAACATTTGTTTTCCCATTTAGGTTGTCTCCATTTGTTTTACTATCTAAGTTTGTCTCT  
CTCTCTCTCTCGTTTCCATTATTATTTGTGGTACTGTTTTTTCAGTATCCTGTTTCTTTGCTGCAACGATATCTGTA  
GTCTGGCATGTCTGTTCGTGTCGGTAGTCTCTCTAATTTTTCATATTTCTTTCTACCTGTGATGCTATGAACTCAG  
AAACCATTTGTTGATCGAATCAGAAGATTTTGCTTGTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTAATCAAACCCCCCAACCCAAGGGGGGCCCCGGACCCAAATTCCTCCC  
AAAAGGGAGTCAAATAACCCCCCCCCCGGCCCGCTTTTAAACGCCGGGACGGGAAAAACCCGGGCTTT  
CCCCAATTAACCCCTTTGAAAAAACCCCTTTCCCAAGTGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCAATCC  
CCCTTCCAAAAATTTGCCACCTAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCGCCAATAAACCCCGGGGGG  
GGGGGGGGTTACCCCAAGCGGGACCCCAACATTTGCCAGCCCCCAAGCCCCCCCCCTTTCTTTTTTTCCCTT  
CTTTCCCCCACTTTCCCCGGTTTTCCCCGTAAAGCTTAAATCGGGGCCCCCTTTAGGGTCCCAATTTAGGG  
CTTTACGGCCCCCAACCCCAAAAAATTTGATAAGGGGGATGGTTCACTAAGGGGCCCATCCCCCTAAAAAC  
GGTTTTTCCCCCTT

>trans\_c\_296 AB281271|Nicotiana tabacum NtbZIP60 mRNA for basic region leucine zipper  
protein, complete cds

GACCATTAACCACTAACCCCTAAATCCCCTTCTTCTCTTCCAACCTCTGGAGTACATAGAATTCCTCTCCCCTCC  
TCTCTATATACTCTCACCTTCTTTTTCCCCTTAATGGAGGAGGATCTCCAGTTCTCCGAATACGATGACTTAA  
GCGGACAGATTGATTGGAACGACTTCTTTGATGAATCCCGGAGGTGGAAATTCCTATTGTCGAGGACTCGGC  
ATCCCCGACTCTATTTCTTCTGATCAACCATATCGAAACGCCTTATTGAATGACGATGAAGACAACGGCC  
TGGGCCTTTCCCTTCCCACTCTACTCACGATTTATGTGATAGTTTTTTGGCTGACGTTCTCGTAGACTCTCATG



AAGAACCCTCCGTAATCGACGTCGATTCCAATGCTTCCGACTGCGGTAACGATTTACCAATTCCCAGAAAAGA  
GGATGTACATAAGGTTTCTCCTGCCGCACCCACAGACGATTGCTGTGTCAGTTTTATGGCTGATGTACTTGACG  
ATGCACATGGGAGGTCCTCTGGGGTTGATGCTGTAGTCGATGTTCTCTCCAATGCTTCCGATTGCGGTGACGA  
CTCGAACAATTCCCAAAAGGAGAAGGTCGACGCACCGAACATCGATGAAAGTGTAGGTGAAGATGTTGGTGA  
TGCTGTCTCCAAAAGCGGCGAAGGCAGCTGACAAATAGGGATGCCGCAGTAAGATCTAGGGAGAGGAAAA  
AGATGTACGTAAATGATCTAGAGATGAAGAGTAAATTTCTGAAGGTGAATGCCGGAGATTGGGGCGTTTGC  
TTCAGTGTTACTGTGCTGAGAATCAAGCGTTACGCTTTAGTCTACAGATGGGAGGCGCTTCTGGTGTTCCTG  
ACCAAGCAGGAGTCTGCTGTGCTCTTGTTGGAATCCCTGCTGTTGGGTTCCCTGCTTTGGTTAATGGGCACCGT  
TTGCCTGTTACCCCTTCTCGACTCCCACAATCAACTCTGGAACCTGTCCACAAGAGAGAATGGAAAACGAA  
GGTCCAGGAAGCGCGCCTCTCAACGGGAGAGAAAAATAACAATTCCATTAGGTCATACTCCTCACTACAGACTA  
AGAGGTGCAAAGCAGCGAGAACAAGAATGAAACCAAGTATGTTAGATGCGATACTTGGGGCTAGTTCGGCTC  
TGATTTGACTTAAATGTTGTAGGATTTAGAAGTGACCGTTTGCTTCGATGGTTAAGCTAGATGGACACTGA  
ATGGTATGAATAAACGAAAGGAAACACTATATCTTAACTTTGACTTGTGTTCTATATTTGGTGCAAATAGATAT  
GTCATCTAAAAGACAAACACATGCGAACGATGGATTGCATCTCGTATGCATTGGTGGTGTCTAGTTTATGTTAT  
TATCGAAAACAATATGTGGTTGTAAGCTTGAAAGGGTTGCAGCCGTTGTCATCCATTTAACTTGTTCTTGCT  
ATTTAGAATTGTACCCATAAGTTGAGAGTCGTCTAAAATTACGGTTTCTTCTGTCTTTATTAATATTTAATTCA  
ACATTTATTTTAAA

>trans\_c\_297 NM\_001060059|Oryza sativa Japonica Group Os04g0556300 (Os04g0556300)  
mRNA, complete cds

GATCTTCCATGTTCTGTTCTCATCAATTCGCTCTCTTCTCACAAGAAATTTCTTCTCAGCGTTGATCTTTATCT  
TCTTCACCTCTGCTTTCAAATACCCGATTTTTTCCCGATTCCAAGCAAACCCTTTTGCATATTCCACAGTTTCCTT  
CTGTTACTCGTTTCGTTTCACCGATTAATTCACGTTCTTCGCTTATTGCCTCGTTTTTGA CTGCTTGGATCATAC  
TATGGCCACCCCTTCCAAGACTTCAGTCCATGACTTCACCGTCAAGGATGCTAAAGGGAATGATGTTGACCTCA  
GCGCTTACAAAGGAAAGGTCCTTTTGATTGTCAATGTCGCTTCACAATGTGGCTTGACTAATTCGAATTATACT  
GAACTGAGTCAGCTGTATGAAAAATACAAGGGCCACGGATTTGAGATTCTTGCAATTCCTGCAACCAATTTG  
GAGGCCAGGAACCCGGATCCAACGAAGAGATTGTGCAGTTTGCTTGACCCGTTTCAAGGCTGAGTACCCCAT  
TTTTGACAAGGTGGATGTGAACGGAAACAATGCTGCTCCTCTGTACAAGTTCTTGAAGTCAAGCAAAGGCGG  
ACTCTTTGGAGACGCCATCAAGTGAACCTTCTCCAAGTTCTTGGTCGACAAAGATGGAAACGTCGTCGATCGT  
TACGCCCCAACGACTTCCCCACTCAGCATCGAGAAGGATGTGAAGAACTGCTGGGAATTGCTTAAGTATCTG  
AAGGGCTATATTTCCCTTGTTATTTAGAAACAAGCAATGAAATGAATAAAAAAGTTTATGTGTATTTGATCTGAT  
GATGTTGTATGCATGTGGTTTCTGAATCTTGTCTATTCCATGTATTTATAAGACTGTAAGTTAAGAATTATGTA  
ATAAGTTGGCCGATCAGCTTGATGTATCCCAAATGTAGCCTTTTTTGCGCTCTATTGGAATTTCTGAGCAGAC  
AGATTATGCAAGAAAAATGATGATTTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGG  
GCCCCCCCCCCCCCAAACTTTATCAATCCCCCAACCCCAAGGGGGGCCCCGGACCCCATTTCCCCCAAAA  
GGGAGCCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCTTTTTAAACCCCGGGCGGGAAAAACCCGGGGCTTTCCCCA  
ATTTAATCCCTTTGAACCAAACCCCTTTTCCCCAGTTGGGAAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCCAATCCCCCTCC  
CCAACATTTCCCCACCCTAAAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGAACCGCCCCATTAACCCGGGGGGGGGGGGG  
GTTTACCCAAGCGGGCCCCCTACCTTTGCCAGCCCCCAACCCCCCTCTTTCTTTTTTCTTTCTTTTCCCC  
CCACTTTCCCCGTTTTTCCCGTAAAGTTTAAATCGGGGCCCCCTTATAGTTCCCAATTTAGTGTTTAACGGC  
CCCCAC

>trans\_c\_298 AF324670|Arabidopsis thaliana At1g53240 (At1g53240/F12M16\_14) mRNA,  
complete cds

AAAACCACAAAGCTACGATCTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGATCCCTTCATTTCCACAAAAACCCTTTCTTCAT  
CGCCTTCGTCGCTCTTCTTTCTAACGTTCAACAATGAAGGCCTCTATTCTCAGATCCGTTGTTCCGCCGTTTCC  
AGATCCTCATCCTCTAACCGTCTGTTGACCCGTACCTTTGCCACTGAATCCGTCCCGGAAAGGAAAGTCGCCGT  
TCTCGGTGCTGCCGGTGGGATTGGGCAGCCATTGGCGCTTCTGATGAAGCTTAACCCACTTGTCTCTAAGCTT  
GCTCTCTACGATATTGCCGGTACCCCTGGTGTGCTGCCGATGTCGGTCATGTTAACTAGATCCGAGGTTAC  
TGGCTACGTGGGTGAGGAGCAACTCGGAAAAGCTTTGGAGGGATCTGATGTTGTCATCATTCTGCTGGTGT  
CCAAGAAAGCCGGGCATGACCCGTGATGATCTCTTCAACATTAATGCTGGCATTGTTAAATCACTTTGCACCGC  
CATTGCGAAGTACTGCCCCAACGCATTGTTAACATGATCAGTAACCCCGTTAACTCACTGTCCAATTGCTG  
CTGAGGTTTTCAAGAAAGCTAATACGTATGATGAGAAGAAGTTGTTGGTGTACAACCTTGTATGTTGTCAG  
AGCTAAGACCTTCTACGCTGGGAAAGCAAATGTTCCAGTAGCCGAGGTTAATGTTCTGTATTGGTGGCCAT  
GCTGGCATTACCATCCTTCCCCTATTTTCTCAGGCTACCCCAAAGCTAATTTGACAGATGACACTATTGTTGCT  
CTCACCAAGCGAACACAAGACGGAGGAACGGAAGTAGTGAAGCAAAGGCAGGAAAGGGTTCTGCTACATT  
ATCCATGGCGTATGCTGGAGCGCTTTTTGCCGATGCTTGTCTTAAGGGATTGAATGGAGTTCCCGATGTTGTG  
GAATGTTTCGTTTGTTCATCAACCGTCACTGAACTTCCATTCTTTGCTTCAAAGGTGAAGCTTGGAAGAATGG  
AGTAGAGTCTGTTTGGATTGGGTCCTCTCTCAGACTTTGAGAAAGAAGGTTTGGAAGCTCAAGCCCGAG  
CTCAAAGCTTCCATCGAGAAAGGAATCCAGTTTGCAAATGCAAATTAGAAGACGTTTGTATTATTTACAGTCG  
GGACAGGTATATCTGCTGCCCGCATTACCATAAACTCAATCCATTTTGTCTTTCCCAACCCAATTGTAAGTGA  
TGATGCTGCTTACGCGCAATCGGCTTTACTGTTTTTGTAGGGTAGATCATTTTCTCTGTATAAATTTATCA  
ATAATCCCCATGGCATGTTTTGAGGGATTGTGGTTGGTTAGCCTTGATCCGTGATACTTCATTAGAATCTT  
CAATTTTAAATATTGAGAATCGTCCAACCATTTGGAGTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCGCCCCCAAAAGCTTAATAAT  
ACCTCCAACCCAA

>trans\_c\_299 AJ428214|Nicotiana plumbaginifolia mRNA for SDL-1 protein (sdl-1 gene)

AGTGATTTGCTGAGAATTTGAATTTGTTTGGTATTTTCGATCTTATATGCATTACAACAAGCACTTCTGCTGGTT  
TAGAGCAGACTTTACCCTGGATTTTTACCACAAGGTGATTGGAGTTTCAAACCTTTTCTTTTCGTAGAAGGA  
AAGGCTGCCTCTCCAAATGTTTCCAAAGTTTTAGAGACCATTCCGGGAGTGAAAGTTATATACAGAACAAAAG  
AGCTAGAAGAGCAGCAAAACAAAAGTCGGATTGGAATGAGACATGGTTGTCAAGCTTCTTCTACAAACCAT  
GCAATTATGAATTGTTTCGTGAAGCAGTCTCTGAACATGGAAATGGCTATTGTCATGGCCAGGAGTGCTGGTAT  
GGATTGGATAATCCACCTGGATACTGATGAACTGATGCACCTGCGGGCACGCGGGAGTATTCATTGAGACA  
ATTGCTTTCGGATGTGCCTTCAAATGTTGATATGGTTATTTCCCAAATTATGAGAGCAGTGTTGAGCGAGAT  
GATGTCAAGGAACCTTTCAGTGAGGTTTCGATGTTTAAAAAGAATTATGACCATCTACCAAAGGATGTGTACT  
TCGGTAATTACAAAGATGCAACCCGTGGCAATCCAACTATTTCTTGACTTACGGAAATGGAAAATCAGCTGC  
TCGGATTCAAGACCATCTTCGTCCAAATGGGGCACATCGATGGCACAATTACATGAAAACCTCCCAACGAGATC  
AAGTTGGATGAAGCAGCTGTTCTACATTACACATACCCTAAATTTACCGATTTGACTTCAAGACGTGATCGATG  
TGGCTGCAAACCAACAAAGGACGATGTTAAAAGATGCTTTATGTTAGAATTTGATAGAGCTGCTTTCATAATT  
GCTTCAACTGCAACAGAGGAAGAAATACTACGCTGGTATCGTGAACGGATTGTGTGGACTGATAAAGCACTA  
AATTTAAACTTTTAAAGAAAGGTATTCTGACTCGCATTTATGCACCTATGGTCATTATTCAAGGATTGAGGAA  
TTCCGGCATCTTTAGTTCTGTAATCTCATCTGCTGTTCAAATACACTTGCCAAAGATCAATTCTTATCATCTGCC  
GAGAGTAGAACTCTTCTAGACGAATTGAATCTGGAGGTTTATCTTCTAGAAAGGTTGGTATTAATAGGGGAG  
ATTCTCAAGCAACTGCCAGAAAGGTCTGGAAATTGTGGACAATCTTCTGATCTTTCAGCTATCCCACCATTA  
TCTCCCCCAGCCTCGACGAAGACGTTCCCGTTCCTGTGGACACATAATTATCATCATCCATCATCGTAAATTGT  
TTCGATTTACACAGTCTCGGTTGTAGGATTGGAATTCATTAGTCTGGCAAAGGAGGGAACCTTTACCAAG  
AGGTGACTGATCGATCCCTAGCCTTGCCATGAAAAATTCGAGTGTTTGATTCATGGGGTTCTTCCCGATCACTG

TCCAAGCGGCTGACGTACATTTTCAGGTTTAGATCTTACAGTCTATAGAGTTAGAATTGTAGAGAGAGCTTGGATTTTGGATTATTTGTC

>trans\_c\_300 XM\_002310330|Populus trichocarpa methylenetetrahydrofolate reductase (MTHFR1), mRNA

TGATCTGATTGTTACTCAACTCTTCTATGACACTGACATTTTCCTCAAGTTTGTTAATGATTGTCGTCAAATTGG  
AATTACTTGCCCAATTGTACCTGGTATTATGCCATCAATAATTACAAAGGTTTCTTACGCATGACTGGCTTTTG  
CAAACTAAGATTCCAGACGAGATCATGGCTGCCTTAGAGCCTATCAAGGATAATGAAGAAGCTGTCAAAGCT  
TATGGAATTCACCTTGGAAGTGAAGATGTGTAAGAAGATTTTGGCTCATGGAATCAAGACTCTGCATATTTATAC  
ACTGAATATGGAGAAATCGGCATTGGCTATACTAATGAATCTTGGTCTCATTGAAGAGAGCAAAGTCTCTAGA  
TCCTTGCTTGAGGGCGACCGACAAATGTTTTCCGTGTCAGGGAGGATGTTTCGTCCAATCTTCTGGGCTAATC  
GTCCTCGAAGCTACATATCAAGGACCATAGGTTGGGACCAGTACCCCATGGTAGATGGAGTGATTCTAGAA  
ATCCTTCATATGGGGCATTGACTGACTATCAGTTTATGCGGCCACGGGCACGTGACAAGAAGCTTCTTGAGGA  
ATGGGCACTCCCATTGAAAAGCATTGAAGATGTTTATGAGAAATTTATGAAGTACTGCCTTGAAAGTTGAGA  
AGCAGTCCGTGGTCTGAATTAGAAGGTCTTCAGGCTGAGACAAGGATGATAAGTGAACAGCTTGGGAAAATT  
AACATGAAAGGTTTTCTTCTATCAACAGCCAACCAGCAGTTAATGGAGAAAGATCTGATTCTCCTTCCGTAGG  
ATGGGGTGGGCCAGGAGGTTACGTTTATCAAAGGCGTACATTGAGTTTTCTGTTCCAGGGAAAAGTTGGA  
TGCTATTGTTGACAAATGCAGGGCCCTTCATCTCTCACCTACATGGCGGAGAATAAAGAAGGCATTTGGGTA  
TCCAACGTCACTCAAAGGATGTGAATGCTGTAAATGAGGAGTTTTCCAGCCAAAGAGATCATCCCACCAA  
CCGTTGTCGATCCGGCCAATTTTTCTTGTGTGAAAAGATGAAGCGATTGAGATTTGGTCAAGGGGATGGGCT  
GCCTTGATCCTGAAGGCGACTGGTCCCGAAAGTTGCTTGATGAGATACACAGCAGCTACTACTTGGTGAGTC  
TGGTGGATAACGATTATATCAATTCCGACCTCTTGCTATTTTGAAAGACTTCTGAGATGACCTCTGCTATTCCT  
TTCCATGATTCTAGCTTTATCTTCCATCTTCGATTTACATTGAAGCTTGATAAAGATAATTCAAGAAGAATT  
TAATTTTATTTCTTTTTATCTTTTTTTTTTCCACATTTTCCGTTTGTTGAGTATATAATATAATTTCCCAAAGG  
GGAGGGGTGTCCATTTAATACATTAGAAACAATTTTGGGATTTTAAACTTCCCGAGGTTGGATGTAATGTAT  
AAATCATTTGTGACTGAAGTGTATATAGATTATAAATATCTCTAAAGGTGGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_301 AF367433|Lotus japonicus phosphatidylinositol transfer-like protein III (LjPLP-III)  
mRNA, complete cds

ATTACCCGGAAACTCTCAGCCAAATGTACATTATCAATGCTGGTCCTGGATTTTCGGATGCTATGGAACACAGT  
GAAGTCTTTCCTTGACCCCGAACAACATCTAAAATCCATGTTCTCGGGAACAAGTACCAAAACAAATTACTTG  
AAATAATTGATTCCAGTGAGTTGCCGGAATTTCTGGGCGGAAGTTGTACATGTGCAGATATGGGGGGATGCC  
ATCGTTCAGACAAGGGGCCATGGAGAAACCCAGAAATTTGAAGATGATTCTTAATGGTGAAGCACGACGTG  
CCAGACAGGTTGTAAAAGTTCTAAATAGTGAAGGAAAGGTAGTTGCGTATGCTAAGCCACATTACCCAATGGT  
GAAAGGCAGTGATACATCAACGGCTGAGTCAGGATCTGAAGCTGAAGACATCGCTTCTCTAAAGCAATGAA  
GAGCTATTCTCATCTTCGGCTGACTCCTGTTTCGAGAAGAAGCAAGAGTTGGTGGGAAAGGAGGTTTTGCCGCT  
AACTTTTCTGGGTATGATGAATATGTTCCCATGGTCGACAAAGCTGTTGATGCTGGATGGAAAAAGCAAGTTT  
TCACTCCAACGACCTAATGCCTCTAAAGGGGTTCTTCACTGCCAAACACTGAAAAATCACCTGAAGCACTTCA  
TTCTCGAATGTTGGTAGTATTCATGGGCTTCTTCATAGCCATTTTTGCTCTTCTCCGTTCACTGACATTCCAGATA  
AGTGGGAAGAAATTGTCTATTGGTAGTCAAAACACTGCCGAACATCAGCCCCCGATAAAACAGCCACTGAG  
GAAAATCGCCCCCTTCACCAATTGCTAAATTTACAGAAGCAGAACTCCTCTCTAATTTGATGAAGAGGCTGG  
GTGAGCTGGAGGAGAAGGTGCATACGCTCCAATCAAAACCATCTGAAATGCCATATGAGAAAGAGGAACTGT  
TGAATGCTGCTGTCACCCGTGTTGATGCCTTGAAGCAGAGCTGATTGCTACCAAGAAGGCTTTGCATGAAGC

ATTGATGAGGCAAGAAGAACTACTAGCTTACATCGATAGCCAAGAGGAAGCAAAGTTGCGGAAAAAGAAATT  
TTGCTGGTAAATATGCGTCCTGGTCTCGGACTCGGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGAGGATTTGCTAAACG  
CAGCTGGCTCTCGTGTAACGGCTATGACTCGGAGTTGAGAGAAGTCTGATGGTGGCCGTTGATGTGACTGAC  
TTTTATATTTTCAGTGATGTGATATTATGTCTCCGATGAGGAGAAAAACGCATGGGAATAGTTTGTGTGAAGAA  
ATTACAATGTGAAGCTTTTGAATATATGATGTTTATGCTGTAAAGATTTTTATGTGTTTTTCTCACCTTCATCCAA  
ATGAATTGGAACGCCACCCCAATTCTCAAAGTTCAAAATATTACAAAATATATATATATTGGTCTAATTAACA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAATCGGACCACAAAAAA  
GCTTAACGAAATCATTATAAAAAAA

>trans\_c\_302 NM\_123984|Arabidopsis thaliana LEM3 (ligand-effect modulator 3) family protein /  
CDC50 family protein (AT5G46150) mRNA, complete cds

CGCCACATCTCGTGATCCAATTTTCAGTTCTATACTTCTCTTTCATGTTTAGATTCATGGTCATCCTTTATCGTT  
GGATCAAGTTAGGAATAAGTAGAGTTAATTATGTGATGTAAATTTGTGTTACGTTTACCCATTGCAATTTCTG  
TTTCTGTTATGTGGAAGAGAGCCTTTTAAGTTCCTGTTATGTGTGTGCGTAATCAATTCATCCGGTCGGCCTTA  
TTCGAGATGTTTGGCATTGTCAGGGCCTCAGTAGCTGACAGAAGATTCTGGTCCTGTCTTCTGTGCAATAG  
CTTTGAAACATAGGGGCATTGCAAGTTCGTAGAACCTTTTTTTTTTAAAGGTCTTCCCATTTAAGATTATGAA  
ATCTATGGATTTGGATGGAAGCAGCAGCTTAGTGGCCTCTGAAGGATCGATCAGTTCAGCTGGACATGTACA  
AGCAAGGAGACATACAGCCTTTTATCGTTTTACACAAAACAGCCTACCAACTTGTAAGCCTGTGTTGACTCCTA  
CATGGGTTATTTCTGATTTCTTTTAATGGGAAGTATTTTCATTCTGATGGGCTTCTTGTCTTCATGCTTCCCA  
CAGTGTGCTGAAATTGTATACAGATATGATACTGAATGTGTACCTGCGTCATATAAAAAATAATATGGTGGCG  
TATATTAAGATAGTTCAGTTCCTAACTTTGCTCCTTTCCATAAAGGTCAACAAGACTATGAAAGCTCCAATT  
TACATTTACTATCAACTAGATAACTACTATCAGAACCACCGGAGGTATGTCAAAAGTAGAAGTGATAAGCAGC  
TGGTACATGGACTGGCATAACAAGTTCCTGCAAAACCATTACAGTCGCATAATGGTCTTCCGATTGTC  
CCTTCTGGGTTGATAGCATGGAGTTTGTCAATGACACATATAAGTTTGTCTTGGGAAATCTGAATTGAAGGT  
GAATAGGAAGAACATTGCATGGGAAAGCGACCGTGAACATAAATTTGGAAAGCATGTATATCCTTTAACTTT  
CAAAATGGAAGCTTGATTGGTGGTGGAAATCTAGATCCAAACATTCTCTGAGTGATCATGAAGATCTAATTG  
TCTGGATGCGCACTGCCGCTCTTCCAAGCTTCAGAAAGTTATATGGTAGAATTGAAGAAGATTTGCATGCCGA  
TGATGTTTTACCTATAAAATTAATGAACAACTATAACACGTACAGCTTTGGAGGAACAAAGAACTTGTTATTT  
CAACATCAAGCTGGTTGGGGGGAAGAAATGATTTCTTGGATGTGCCGACATTTTTGTAGGATCCTCTTCGCT  
CCTGGTTTCTATATTCTTCACATTGCTACACATGAAATCGAGGCCCTTCAGGGAAATAAACTTTTCATCTAGGA  
ATAAAAGCAGCAGTACGGATTAATGATATATTCTGTGAGCAGTTAGTTTCATAAAGATCACAAGTTTCTCTCT  
AATTGGTTGTAAGTTTCAAAGAAAAAGAATATACTCGAAAGAAGAATATACTCATTGGGTGCGACTGTTTCG  
TTGG

>trans\_c\_303 XM\_002866017|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

AATTCACAAACCCACGCCGCCGCTGCTATTCAAACCAATCCCAAATTCCTCACCTCCCTTCCCTCCTTTTCTCT  
GCCAAGCTAGCTCATGACGCCACCGCCGCCGCGCATGACCAAGCTTTGCCGAAAACCTCGTCCGCTGGAGGCTCC  
TTGAACGGGTCTCCCTTGTCGGTCACTTCTTCCGCTTCATCTGGGATAGGCTTTTTTCTGTTCTTCTGGAACCA  
CTCCTAAAAGATACCGCCGCTCCCTCCCGTTCTCCACCTCCCGCCACCGACGGTGGCTCCTCGCCGGAGCAG  
CCTACCACTAGCGGTGCCTTCGACTCCGATTCCGATTCGACTCTGCTGATTGGTTTCTCTTAAGATTAGTCTC  
TTGGGAGATTGCCAGATTGGAATACTAGCTTCGTGGTTAAATTTGGCCTCTTATATAAAGTTCATTCTAGACT  
TTAATCTCTCTCTCTTTTAACCTTTTATTTTTTTGTTTGTCTTTCGATTTTCATTAGATCAAGTATGTGGGCG  
ATGAGCAGGAGAGAAATAGCTTACAGATGAGTGGAATAAACCTAATGAACAAAACATTAAGTATCCAAAATG  
CTCTGATTTCTTCTGTATCTGGGATGTAAAGGTGACAGCAGTTCACAAGATCAGCTTCCATTAGCCTGCAA

GATGCAGTGGCAATCTTGTTTCATGTTTCGATCTCACAAGTCGGAGAACTTTGAACAGTGTGTTGATTGGTATAC  
GGAAGCGAGGAAATGGAACCAGACAGCCATTCCCATTTTGATAGGAACCAAATTTGACGACTTTGGTCGACTC  
CCACCCGATTTGCAGTGGACAGTTGTTAGTCAAGCAAGAGCTCATGCCAGAGTTATGAAAGCTACTCTATTCTT  
CTCGAGCTCCATTACAACATCAATGTCAACAAGATTTTAAAGTTCATAGCAGCCAAGCTGTTTGACATACCGT  
GGTCTGTTGAGCGGAACCTCACTATTGGAGAGCCGATAATTGACTTCTAACTTTCGTTTACACTCAACCTGATTC  
TGATGTACATACAATACGAAAGAAAAACACATAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGTAGGAG  
AAAAATTTTATCCTTTTTTCCGAACAGGTTGATCTATCATCTGTTTGGGATTTGTTATCTGATATCTTATTTGTAAC  
TTTTTGTTTGATCAAAGTGAAGGTATTCTTATTTGACGGAATAAAAAGAAAGAAAAATAGAGAATGGATGA  
GATTCTCTTTACTCAAGGACAGATTACATTTGATTGCATTAGAGGGAGGGTATGAAAAGAGATTCTGGTGGG  
GATTATTATTTCCATAGCTAATAGAAAAGCAGCCTATGAAGCTTTTCTTGTTTATTCTTTGGGAGACACAAT  
CCAAGGACGAAGCAAACCTCATGTCCAGCTCCAACCTCCAACCTCCCGTGTGATTTAATGTCTTGAAATTAATATG  
TAAATAGAGTTCGAATGGTTTGAAAATATGAAATGGAAGTCGAGACCTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_304 XM\_002881260|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein S5 family protein,  
mRNA

AGAGTCCATTGGGATAAGCCTCCATCTCTGAACCCACAAGCCTTCTCAATCCTTCCTCAATGGCTTCTTCAACT  
CTCGTCCCCATTTCTCTATTTCCCTTCGTTCTTCTCCTTCCCACCGCCTCTCAATTCCACTTTTCAAGCCTTTCCCC  
CTCCTCCATTTCCCTGTTTCCGTAAGTCTCAATCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCATTCTCTCTGCAACTCGAGCCAA  
ATCCTCTGACACCGACACCACCTTCTTCGACAACGTCAATCCCGATGAAGACATCGCTTTTGACCCTCCCGAAG  
TCCCCGAAGGCTTCGTCCTCCACCCTCCTTCGACGAGGGCCCTATGGAAACCGAGGAAGAAATTGCCGCTGC  
TTACGAGGAGATCTATGGCCCCGCTTACAGTGGAGTCAGTGTCTTGGAACGACATTTATGTAATGGATTCT  
AAGGTCAAGAAAGCGGGCGGGTTTGGCTCCAAGGCCAAGAAGGAGAAGCCGCGAGATAGGTTTCGATGAGC  
GGGTTGTCCAAGTTCGGAGGGTTACTAAAGTGGTTAAAGGTGGGAAACAGTTGCATTTTAGGGCAATTGTTG  
TTGTGGGTGATAAACAGGGCCAAGTTGGTGTGGTGTGGTAAAGCTAAAAAGTCATCGCCGCTGTTTCTCAGA  
AATCGGCAGTTAATGCTCGCCGGAATATTGTCACTGTTCCCATGACCAAGTATCTAACATTTCCCCACAGGTGC  
GAGGGAGATTATGGAGCAGCAAAAGTAATGCTAAGACCTGCTTCTCCTGGTACTGGTGTGATTGCTGGTGGGA  
GCAGTGAGAATCGTCCTTGAAATGGCTGGTGTGAGAATGCTTTAGGGAAGCAACTGGGAGTAATAATGCC  
CTCAACAATGCTAGAGCGACAGTGGTCGCCGTGCAGAAGATGAAACAGTTTAGGGACGTTGCACAAGAGCGT  
GGCATCCCCATGGAAGAGTTGTGGAAGTGAAGAGGGAAATGTAATGGTGTCTGCAGAGATCTTGAGGAAGC  
AGAATCTTCACAACATCAGAGAAAAGAGAAGCTTTTTTTGTAGACATCTTTATTCTATAACATTTTGTACTCTA  
ATAAATTAATACTCAATTTTGTATTTAATACGTTTAAGAAAATCCATTGTCCAAATTGAATCTAAACTCAAAATC  
TGTAAGAGCAGATTGATATTTTCTAAATCATTGAAGTGACCACTTGATTGGTATGGTTGGGAAATTATTGTA  
CAGCCCATGGGGCTTGAAATTTTCAACTTTTTTTGAAGTGAATATTACTCTTGTCTCTCCACACATTTTGGGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAATTTTATCAATCCCCCACCCCC  
AGGGGGGGCCCCGGACCCCATCCCCCTAAATGGAGTGAAATTACCCCCCTCCGGCCCCGCTTTTAAAAA  
CGTTGGGCGGGGAA

>trans\_c\_305 AF043538|Arabidopsis thaliana 20S proteasome beta subunit PBG1 (PBG1) mRNA,  
complete cds

GGGAGAAGAGGACGATCTGAAAAATCATTTCTTGAGCGAAGGGAAAAGAAGAGCTCTACTAAAGCAGTCGA  
AAAAAGAAAACCTCAACCTCGCTGCGACTCTCGACATTGATTCTGTTTTCAATTCATTTGCCAAAGTTAATCG  
ATCCGAACATGAGTCCCTCTGATTCCAACCAGGCGAACCACGGTCTTCTCTGCCCGGAAGCGCCAATTCAAAG

AACCCAGTATCCTTATGTGACTGGTACATCCGTGGTTGCTATCAAATACAAAGATGGGATTTTAATGATTGCCG  
ATTTGGGAGGCTCCTATGGTTCTACACTGCGGTATAAGAGTGTGGAAAGAATAAAAGCTATTGGAAAACATTC  
TCTTCTTGGTGCTAGTGGTGAAATTAGTGACTTTCAGGAGTTATTGCGAAATCTTGATGAGCTCATCTTGTATG  
ATAACATGTGGGATGATGGTAATGCTTTGGGGCCAAAGGAGATCCATAGCTACTTAACTCGACTGATGTACAA  
CAGGCGGAACAAGTTCAACCCACTTTGGAACCTACTTGTCTAGGTGGGGTGAAGAATGGGCAAAAGTATCTT  
GGCACGGTTAATATGATAGGTGTAACCTTTGAAGATGACCATGTTACTACTGGTTTTGGCAATCACCTGCACG  
GCCTATTCTTCGTGATGAGTGGCATGAGAACCTGACTTTTGAAGAAGGTGTGAAATTGCTGGAGAAGTGCAT  
GAGGGTACTCTTGTACCGTGATAGGTCTGCTGTCAACAAGCTCCAGATTGCAAAAATAACTGAGGAAGGTGT  
GACAATCTCCCAACCCCTACTCTTTGAAAACATTCTGGAACCTACTCTGCTTTGAGAATCCGACTTCTGGTGCTGA  
AGGTTTCATGGTAGATTGAAGCTACCATGTTTATCTCAGATCACAATTTCTGTAATTGTTCTTCATATCATCAGAT  
GTGAAACAATTGACAGATAAAAGTTAGGGTCTCTTAGATACTTGTCTTACCTTGGAATTTGTATGGAATCTCTA  
CTTGAACCTATTATCAGTTATATCCAACCTCAATGAATGCTTTGATTTGATTGTCTTGACTTCTTTATAATCACAATC  
GATTTCTTTTTTAATTATTAATCTGCCTACTCAATCACTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCGCCCCCAAAAATTTTAAAAACCCCCAACCCGGGGGGGGGGCCCCGGC  
CCCCATTTCCCCAAAAGGGGGGTAAAAAACCCGGCCCCGGGGGCCGTTTTTTAAACCCGGGGGGGGGGGA  
AAAACCCGGGGTTTCCCCAATTAATCCCTTTGGAAAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAA  
GCCCCCCCCCATCCCCCCCCCAATTTTCCCCCCCCAAAAGGGGAAAGGGAACCCCCCGAACGCCCCAA  
TAAACCCGGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_306 DQ083549|Citrus x paradisi pyruvate dehydrogenase mRNA, partial cds

AAATCTCAAACCTCTCAACAAATCTTCTTTCTGATCTTGCGCTTCTCATGGCTCTCTCTCACGCAGCTTCCCGATCC  
AATCTCCTCAAGCCCCCTCGCCTCCGGTTTCTATTCTCCTCCTTCCGCCGTTCTTCTCCTCCGCTTCCGATG  
ACTCTGCCACCCTCACCGTCGAGACTTCGTCCTTACAGCCCACTGCGACGAGCCCTCCCGTTCTGTCC  
AGACTAGTCCCAAGGAGCTGCTCGGGTTCTTCCGTGACATGGCCCTGATGCGCAGGATGGAAATCGCCGCTG  
ACTCTCTCTACAAGGCTAAGTTGATCCGCGTTTTTGGCATCTCTACGATGGTCAGGAAGCCGTCGCTGTGGG  
AATGGAGGCTGCAATTACCAAGAAGGATGCCATTATTACTGCTTATCGGGATCACTGTACATTCCTTGGTCGT  
GGAGGAACGCTCCTGGAGGTTTTCGCGGAGCTAATGGGACGACAGGCTGGGTGCTCTAGAGGTAAAGGTGG  
CTCTATGCATTTCTATAAGAAGGATGCTGCCTTCTATGGCGCCATGGTATTGTTGGGGCTCAGGTTCTCTTG  
GATGTGGAGTGGCCTTTGCGCAGAAGTATTCTAAGGACGAGACTGTTACTTTTGCTCTTATGGCGATGGTGC  
CGCGAATCAGGGTCAGTTATTCTGAAGCACTTAACATCTCCGCGCTTTGGGATCTGCCTGTCATTCTCGTCTGCG  
AAAACAACCATTTATGGTATGGGAACCGCTGAATGGAGAGCTGCGAAGAGTCCAGCTTATTATAAACGTGGAG  
ACTACGTTCTGGATTGAAAGTGGATGGTATGGATGCTTTAGCTGTCAAACAGGCTTGCAAGTTTGAAAGGA  
ACATGCTTTGAAGAACGGACCAATTATTCTCGAAATGGACACGTATAGGTATCATGGTCACTCTATGTCTGATC  
CGGGTAGCACTTACCGCACACGTGATGAGATCTCTGGTGTTAGACAGGAACGTGATCCCATCGAAAGAATAA  
GAAAACCTAGTATTATCCTATGATCTGGCCACTGAAAAGGAGCTAAAGGATGTTGAGAAGGAAGTTAGAAGAG  
AAGTCGATGAGGCTATTGCTCAAGCCAAGGAAAATCCTTTGCCGGATCCTGCTGAACTCTTCACAAATGTGTA  
TGTGAAAGGTTTTGGAACCTGAGTCATATGGAGCAGATAGGAAAGAAGTGAGAGCTGTACTTCCATGATTTTAT  
TTAGGTCGAAACACTGCTTTGAACCTCTACACACCACCAAAACCCGTCAGTGGCAAAAATAATAATTGGGAGG  
TTTGATTGAAGTTATTTTTCTCTTTCATGGGTATCCGTTTGGTAACCTCTAATTTTTCTGATAGTAGTGAAT  
ACATATTTTGTTCCTTTCATTAATGGGAAATATTTCAAGTATTTTGCCTTGAAATATTTAACCTATATGTTG  
GTATATTCATTTGTAACCTGTGAAATATGCTTCTTTGCCTCTGTCATGAATGTTCAATAAAGAGGGAGATCTT  
AGGGGCTC

>trans\_c\_307 NM\_001051816|Oryza sativa Japonica Group Os01g0929100 (Os01g0929100)  
mRNA, partial cds

AGAACAAAAGGCGGGGATTTAACGTTCAAGATTAAAGACGATAAACCCAAAAATGGCCTCCTCTTCTCCCT  
CCCCGTTCTTTCTTTCAATCCAATCCCCAAAATCATCTTCGGATCTTCTGAAATTGTTGCTGCACCGTTTTCGATT  
CAAACAATTCAGGGAAGCAACGGAATCTCCTCCTCCAAGTTGCTCGGAAAATTGACGAGGAGAAGCCTCTCG  
CGGCGGCTGAATGCGGCGGGATTGTCCGAGATTGAACCCGACTTAAACGAAGACCCTGTAGATCGTTGGGAA  
ACCAACAGCGTCAGCCCTGAAGATTTTGAGTATGGAGTATACGATGGACATCACACTTACTTTGAAGGGGAG  
AAGAAAGGAACATTCTGGGGAGCCATTGCAGATGATATTGCTGCAGTTGGACCCCCAACAGGCTTTCAGGGC  
CTCATGTCTTGGCTCTTCTACCAGCAGTTGCTGCTGGAATGTACTTCAATGTTCCGGGGGAGTATCTATACAT  
TGGAGCAGCTATATTTACAATAGTATTCTGCATAATCGAAATTGACAAGCCAGACCAGCCACACAACCTTCGAA  
CCTCAGATATATAACATGGAGAGAGGGGCTCGTGACAAGTTGATATCAGACTACAACACCATGGACATCTGG  
GAATTCAATGAGAAGTATGGAGACTTGTGGGATTTCACTGTCAAGAACGATGATATAACAAAGACATGATTG  
CCTCCTCAGTGGATGTACATTGTAAGGCAAGTGAGAATTCTTTATCAAAATCTGTATGAAAATGTATATCATAC  
AATACAACAATGTTCTTGGTCTTCTAATTATAGTATTAGTGAATGTAAATTGTAATTATGAACTGAACTTATCAT  
CCGTTTAGCAAGAATGTTTCTTGTATTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTATAAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCGG  
CCCCCTTTCCCCCTAAAGGAGGGCAAAACCCCCCCCCCGGCCCTTTTTTAAAAACCCCGGAGGGGAA  
AAACCCCGGGGTTCCTCAAATTAACCCCTTTGAAACAACCCCCCTTTTCCCCCGGGGGGAAAAAAAAAAAAA  
GCCCCCCCCCCCCCTTCCCAAATTTTCCCCCCCCAGAGGGGGAAGGGGACCCCCCTTAACCCCCCTTT  
TGCCCGGGCGGGGGGGGGGGTCCCCCGCTTGCCCCCTTCTTTCCCCCCCCTAAGCCCCCTTCTTTTTT  
TTTTTCCCTTCTTTTCCCCCTTGGCCGGGTTTTCCCGCTAAAGTTAAAACGGGGCCCCCTTTTGGGTTC  
AATTTTGGGTTTTCCGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTGATTTAGGGGAGTGTTTCCGGAAGGGCCCCCCCCC  
TAAAAAAGGTTTT

>trans\_c\_308 FJ360448|Vigna radiata vacuolar ATPase subunit d mRNA, complete cds

ATAATCGATTTGCTGATTCTGCAACTCGGATCCCAAAAAGGAGCTTCAAATTCTCCGATTCCAGGGCCTTTTTCT  
CTCAGCAATCAGAAATTATTCGTACCTTCACAGTTCTGCTTCGTTAGGTTTCTCTCGGAGGAGGCGTTTGGTTTC  
TTGCCATTGCTCTCCCCTTCCCTTTCCCCACTCCAGATCTTCTCCTCATTATTTTCTTACC GTTTCCATCAGCTT  
CTAGAGAATGTATGGTTTCGAAGCCCTTACCTTCAACATTCATGGAGGCTATTTGGAGGCCATCGTCCGGGGA  
CATAGGGCTGGGTTGCTTACCGCCGCTGATTATAACAATTTGTGTCAAGTGCAGAACCTAGATGATATCAAGA  
TGCACCTCTCTGCCACTGAGTATGGCCCTTATCTCCAAAACGAACCATCTCCATTACATAACAACGATTGTG  
GAGAAATGCACCCTAAACTGGTTGATGAGTATAAGCACATGTTGTGCCAAGCCACCGAGCCTCTGTCTACCT  
TCTTAGAGTATATCACATATGGTCACATGATTGACAATGTTGTCCTCATTGTTACTGGAACCTTGCATGAGAGA  
GATGTTCAAGAACTGTTGGAGAAGTGCCACCCTTTGGGCATGTTTGACAGCATTGCTACCTTGGCAGTTGCTC  
AGAATATGCGGAGAACTTTACAGATTGGTGCTTGTGACACCCCTTTGGCTCCATACTTCTCAGAGTGATCACA  
TCTGAGGATTTGGATGACATGAACATAGAAATTATGAGGAACACTCTCTACAAGGCATACCTGGAGGATTTCT  
ACAGGTTTTGTCAGAACTGGGTGGGGCCACTGCTGAGATTATGTCTGACCTCCTTGCTTTTGAGGCAGATAG  
AAGGGCTGTGAATATTACCATAAATAGTATTGGGACTGAGCTTACCCGTGATGACCGAAGAAAGTTATATTCC  
AATTTTGGCTTACTTTATCCCTATGGTCACGAGGAACTTGCAATCTGTGAAGATATTGATCAGGTCCGTGGTGC  
CATGGAAAAATATCTCCCTACCAGTCAATTTTTTCCAAGCTGTCATATGGAGAGAGTCAGATGCTTGACAAG  
GCATTCTATGAAGAGGAGGTGAAAAGGCTATGCTTAGCATTTGAGCAACAGTTCCATTATGGTGTTTTCTTG  
CATACATGAGGTTGAGGGAACAGGAGATTAGGAACCTAATGTGGATTCGGAGTGCGTCGCTCAGAACCCAGA  
AGTCGAGGGTTCACGACAGTGTTGTCTTCATATTTTAGTCGGATTATTAAGAAAGAAACCCGTCTTAATTAAT

CATATTTGTTTCCTGTTTTGCATAATTCAGTGTAAATCATGCTCCATCTTATCCTATATTGTGCTGCAGAGGA  
GATGGGGGGTTCATACATTCTTCCATGCAAGACTTTCATGTCTAAATAAGTGCTTTTTTTTTTTTTTTCTTTT  
GATGTATTAATGGGTAAATGGGTGAGAAATCATTGTAAGTGAAGAATGATATCCAGATACTTGATGTGA  
A

>trans\_c\_309 AF020814|Pisum sativum glucose-6-phosphate/phosphate-translocator precursor  
(GPT) mRNA, nuclear gene encoding plastid protein, complete cds

TTGGAACCTTGTGATACCCAGTTGGATTTCTACCATGATCTGTGCTGTGAAACAATGCTCTAGGGCTATCCATT  
GCTCTGATGGTGCTATTTCGGAGCAAAACATCGGTTCTTCTCGACGATCCTCGTTTCTCCACCTCTCCGGTGC  
AAAAACCTCGAACTCCGCTATTTCTGTTTATAAGGCTGTACATGTTTCTCGTTGAGAATTTTGAACCTCTG  
GTGTTTCGTAAAGCGAATCTGATCAAATGCGAAGCTTACGAGGCTGAGCGATCGCAGCCGATCGAATCGAGCG  
TTGAGTTGCCGCAAAGTCAGGTCCCTTCTGAGGCCGCGAAGAAGGTGAAAATTGGATCCTACTTCGCTCTTG  
GTGGGCTTTGAACGTGGTTTTCAATATCTATAATAAGAAGGTGTTGAATGCTTACCCATATCCATGGTTGACCT  
CGACTCTGTCGTTGCCGCCGATCTCTGATCATGTTGATCTCATGGATGACGAGAATTGCCGAAGCTCCCAA  
AACCGATGTTGAGTTTTGGAAGTCTTTGTTCCCTGTTGCTGTTGCCCATACAATTGGACATGTTGCTGCAACCG  
TGAGTATGTCAAAGGTTGCAGTTTCATTCACATCATCAAGAGTGGTGAACCTGCTTTAGTGATTGGTT  
TCGAGGTTCTTGCTGGGTGAGACCTTCCGCTTCTGTCTACTTGTGCTCCTCCCGATCATCGGTGGTTGTGCT  
CTCGCGGCTGTGACCGAACTCAACTTAAACATGACGGGTTTCATGGGTGCCATGATATCAAACCTGGCATTGT  
ATTCCGTAACATATTTCAAAGAGGGGCATGAAGGGAAAATCTGTTAGCGGGATGAACTACTATGCATGTTTA  
TCGATTTTGTCTCTGTTACTCTTGACGCCATTTGCATTTGCTGTGGAGGGACCACAATTGTGGGCTGCTGGATG  
GCAAACAGCCGTTTCTCAAATTGGACCTCATTTTCGTTTGGTGGGTTGCTGCGCAAAGTATATTCTACCATCTCT  
ATAATCAGGTGTCTTACATGTCCTTGGATGAGATTTCTCCCTTGACGTTTAGCATTGGAAACACCATGAAACGA  
ATATCAGTCATAGTTTCTCCATCATCTTCCGCACGCCAGTGCAGCCAGTCAACGCTCTTGGAGCTGCCATT  
GCAGTTCTTGGAACCTTCATATATTTCGAGGCAAAGCAATGAGGAAAGAAGAAAAGAACCACGAAGTTAAGT  
TTATGATAATGTAGCATTTATGTATCGGAGAGGGCAGTGTGTCTCCTAGTAAATTTGAGAGATAAAGATTAGG  
TAAAAAGAAAAAGAAGGCGAAGAAAAAGAAGCCAAAGAGGTCGTTTCGGAATATTCAAGACTGGGAACCTT  
TATTGTAATGAAGCAGGAGCAAGCACTTGTCTGTTTGTAGATATAAATAATGTTTTAGATTTATAAGTTTCTA  
TTTAGGTCGGGTAAAGTAAGGTAATTAAGGATTTTGTGACGCTTTGTTTGAGAAGATGAGGAAGGAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_310 XM\_002867497|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydroxyproline-rich glycoprotein  
family protein, mRNA

ATCTCTCGTTTTCTTAAGCCAAAAACGACTTCTCCTTCTTTATTAAGAATACCACCTTTGATCGTATCAGATTTCTG  
AGATTCTCAGACCAAAATTTCTCTCCTAACCACTTCGATATGGCCAGCGACACCGAGCCGGCGAAGCTCCTTC  
TGCCCTACCTCCAGCGAGCCGACGAATTGCAGAAGCATGAACCTCTTGTGCGATACTACTGTGATTATATGCT  
ATGGAACGCGGACTAAAGATTCCACCGGGCGAACGTACCAAGACCACTAATGCCCTCCTTGTTTCCCTCATGA  
ATCAGCTCGAAAAGGATAAGAAGTCACTAAACCTTGGGCCGATGATAGTTTGCATCTAGAGGGTTTTGCATT  
GAATGTCTTTGCAAAGGCAGACAAACAAGATCATGCTGGTCGAGCAGATTTGAACACTGCAAAAACATTTTAT  
GCTGCCAGCATTTTCTTTGAGATTATTTCCAGTTTGGTCCACTTCAACCAGACCTTGAGCAAAAACGAAAATA  
TGCAGTCTGGAAAGCAGCAGATATCAGGAAGGCTTTGAAAGAGGGAAGGAAGCCACAGCCTGGTCCACCTTC  
TGGTGATGATGATCTGTCTGTTCTTCAAGTACACCTGCCAATGCCAATGATGCAAGACCAGGAGAGCCTCAA  
GTCTCAAGAACTCAATCACAATCAGATTTGTCGCCTCAGGTTTATGACAAGGCTAATAACGATCACACAAATAT  
GCCACAAAGTCCTCAGGTATATGACAACATGAACAATCACACATCTTTAAACACATCTCCACCTGCCCGATTCC  
ATAATGAAGTTGACAATCAGCACCTCCAAACATTCCATCATACCCTGCAGCTGGTTATCCATCCCATGAGTTC



CATATACCTCCTCCGAGGAATGAACAAGACAATTCCTCGTACACTCAGCCATACCACCACATCCATTCTACTC  
GCAAGAGCATCAACAACAGCCGTTGCCGCATAATTATCCATCTAATGAAACTTCCCCTAATTACTCTTATCCCCA  
TTTCCAATCTTATCCAAGTTTCTCTGAAAGCAGCCTCCCGGCCGCCCCCTCTCACTATCCAACCTATTACCAAGG  
ATCTGATGCTTCATACTCTTCTCAAGTGACTCCTCCTCCCGCCAGCTACCCATCAGCTTCCAGTATCATTGAA  
CGGCAGAGAGGAGATGGCCTCAGAACCTCAACCTACCCAAGCTCCAGCCAAATCATACCATTACGACAGCAAC  
TACCAGCCAGCTCCTGAGAAAATTGCCGAGGCACACAAGGCCGCGAGGTTTGCTGTAGGGGCTCTGGCATT  
GATGATGTTTTAGTTGCGGTAGAGCATTTGAAGAAATCACTGGAAGTGTGACTAATCCTTCAGCCAATGTGT  
GATTTTCTGCTTTGTTGCTGGATTGGCTTATGTGAATTTCTTTATGCTTTCTATACCAGGTTTGATGTGTAAATTT  
AAGTCGATTTGTGCCCCAGGAAATGATTGATCGGACATGTTATTGAGAAANTGTATGATCTTTGATCTTTACA

>trans\_c\_311 NM\_111567|Arabidopsis thaliana proline-rich family protein (AT3G06870) mRNA,  
complete cds

AAATCACAGACTGTCTTCTTCATCCTTCTTTGTCTCCTCTCTCCATTTCTATTCTCAACTTCATTTTTGTCTTCTATT  
CCTCTCTCTTCACTTCCCACCCATGGTCCAAATACCTAACGCCGATGACGACGACATGGACGACGGTATGAAGT  
GCAGTTACCATCCTTATCGGACCAACCAAGGAGGGATCTGCGCTTTATGTCTTCAAGAAAAGCTCGGCAAATT  
AGTCTCTTCTTCCCCTCTTCTCTTCCACCTTCTCTTCTTCTTCTTCATCTTCTTCTTCAGATCTGATTTGCG  
CACCGCCCGTCACTCTGCTCTTTCTCTCTTCAATTTCCCCTCAAATAGAAAGTCACTGCCATGATCACGCCGC  
GCCCCGCCAGGACTCGAATCCCCTTTCTGTGGAAGAAGAAGAAAAAGCAGCCGGAGGTAGGTTTCCGCCGGAG  
TAAATCCACTACCACTCCGGCTAGAGGGAAATTTCTGGATCCTTATCACGCTGAAGATTATAGCCCTAAGAACA  
GAGGATGGATTTGGTCACTGTTTGATCTTTCTACTAAATCCCATTCAACGAGAAAAATCGATCATGGGGGTTTG  
CGAGAAAGTTTGAAGATCGCGTCTTACCAACCGCCGCGACGTCGGAGAAGCTGAAAGGAAAAATGCACGGA  
AACATCTAAAGATTTCTGCAACACCGGCAGGGCGGAGGACGACGACGAGGTGGAGACGATAGTCCGAACA  
GTAGTCAAGCTTCTGCTTCAGTCTCGTCGTTTGAACGGAAGGTTTCAAGATCCAGATCCGTCGGGTGCGGCAG  
CCGGAGTTTCTCCGGCGACTTCTTTGAAAGAATCACCGGTTTCCGGCGACTGTACGTTACGAAGAGTGGAATCA  
CACAGAGAGGGGAAAAACCCAAAATAAACCCACCGCTGTGGCCACGGTGCCGGACGGCAACGATTCCTTAAA  
GAACGAGTGAATGCGGCGGAATATTCGGAGGATTCACGATTCAGACATCGTCATCTTCGTCATCAGCGTCAT  
CGTCATACTGGGTATCATCATCCTCGGGCGAAGAAGGGAGATTCCAGCAGGCAGCGACGTACGGTCAGGCCG  
GGCGAAGCAAGAACAAGGGTGGGCATTTGCTAGTCCGATGAGAGCTTTCACGAAGCCATCGTCTTCATCAT  
CAGAAGGGGAAAAGAGAATCATCGGAGAAAAATTCGACTCCAAATTTGACGCCATTCCTTCATTGCTGGCCGT  
AAGAATCTGAACACAAAATTGAAAAATGAAAATTAAGATGCAGTAATTTTAATTTACATGTTAATCATGAAAT  
TAATTATCTTCTTATCATTATTATTGTTTTTAAAAATCCGTGAGTTCATATTGTAAATCATGTTGTTGTTATTCTT  
CAGAGAGTCAAACTTTTCCCCAACCTTCATTGTTTGCTTTCTGTATTTTCGAATTTTGGGAGGGTCCGTTTTAC  
TTTCTTCTTTTTTTCATGTACTAAAAATATCCACTAAATTAATAATTCTTTTTGGTCATCAATCAATAACATAG

>trans\_c\_312 AY247269|Medicago truncatula AKIN gamma mRNA, complete cds

TTCTGAAAAAGCGAAAAGGAAGGAAATTGTAGAGGATCATTTGAGAGAGAAAGGGAAAGAGAAAATTATGG  
TAATGGCAGAAGAGAGTCCGAGAAGCCCAGAGGCGAAGGTGGGGATGCAAGTAGAAGATTTATGGGATATT  
CAAGAACCGCAGCTCAGTCCTACTGAAAAGCTTAATGCTTGCTTTGAAAGCATCCCTGTTTCTGCTTTTCTCCT  
GCCCCCTCTTACCAAGGAATTGAGATAAGATCGGACAGTAGTTAGCTGAAGCGGTTCAAATTTGGCTGAGC  
ATAAGATTCTCAGTGCGCCTGTGGTGGATGTTGATGCACCTGATCATGCGAGTTGGATTGATAGATACATTGG  
TATTGTTGAGTTTGCTGGAATTGCTGTTTGGATTCTTCATCAGTCGGAACCTCCATCTCCGAGAAGTACTAGTG  
GTGGAATGCTCTGGTTGCAGCAACAAATGGGGTGATATCTCCTTTAGAACAGCAGGTACTAGGTCCGGAAT  
CTGCTGCAGCCACCCCGGAAGCTTTTTGAATCCTTAACCTCCTCTGAATTGTACAAGAGCACACAGGTGCGA  
GACATCTCAGGATCTTTTCTGTTGGGCCCCATTTCTAGCTTTGCAGACATCCAATTCCTTCTTACTATGCTCTTA

>trans\_c\_313 AF532627|Glycine max syntaxin mRNA, complete cds

>trans\_c\_314 NM\_001048912|Oryza sativa Japonica Group Os01g0212100 (Os01g0212100)  
mRNA, complete cds

TTTCAACTGTATTATCGATTTCATGAACAGGAACCTCCAGGTGATATACTTGTATTTCTCACTGGCTAAGATGAT  
ATTGATGCTGCTGTTCAATTAATTGTAGAAGAAGGGCAAAATGACAGAAAGAGATCAGAATTGATCATCTTGC  
CTCTGTACTCTGGGCTTTACGTGCAGAGCAGGACCTTATCTTCTACCAACCCCCAGGGGGAAGAGGAAAGT  
AGTGATTTCAACAAATATAGCAGAGACATCATTAACTCTAGAGGTTAGATTGTGGTTTTATCAAAAACTTTT  
GTATTGATTGGCATCCTTCACTCTGTACTCGTCTGTCCTGTGCAGGGAATTGTCTATGTTATTGACAGTGGGTT

CTCCAAGCAGCGGTTCTACAATCCTATAACAGATATTGAAAGCCTTATTGTTGCACCTATATCAAAGGCCTCAG  
CTAGACAAAGGACCGGAAGGGCTGGAAGAATTCGACCTGGGAAGTGTTACAGACTGTATACAGAAGAATATT  
TCATTAATGAAATGCCCGCTGAGGGTATTCTGAAATGCAAAGATCAAATCTTGTTACCTGCGTCATTCAAGTTG  
AAAGCCCTGGGAATTGATAATATTCTAGGCTTTGATTGGCCGTCGCTCCATCTCCTGAAGTGATGGTTCGGG  
CATTAGAAGTTCTTTATTCACCTGGAGTCTTGATGATGATGCTAAGCTTACTTCACCAGTTGGGTTTCAAGTT  
GCAGAGATTCCACTTGAGCCAATGATCTCAAAAATGATCTTAGCTTCTGGTGAACCTGGGTGCTCAGAGGAGA  
TAATGACAATAGCCGCTATACTATCAATCCAGTCCATTTGGGCTTCTAGTAGGGGAGCGCAAAGGAGCTTGA  
TGAAGCAAGGTTGCGATTTGCTGCAGCTGAGGGCGACCATGTGACTTTTCTTAATGTGTACAAGGGGTTCCCTT  
CAATCTAATAAATCTTCCCAGTGGTGTCAAGAAGCTTTATCAATTACCAAGCCATGAAAAAGGTTATGGAAGT  
TAGAGAACAACCTCAGAAGAATAGCACAAAGATTAGGTATCATCTTGAAATCATGTGAAAGAGATACTACGGC  
CATACGCAAGGCGGTAAGTCTGCTGGATTTTTTCCAATGCTTGTCAATTAGAGGCATACAGCCACAATGGAATG  
TACAAGACCGTCAGAGGTTCTCAAGAAGTTTATATTATCCCTCTTCAGTGTTATTCAGAGTTAATCCAAAGTG  
GGTCATATATCACTCACTCGTGTCAACTGACCGACAGTATATGCGTAATGTTGTCACCATTGATCCGGGATGGT  
TAACCGAGATTGCTCCCCATTTTTACCAGCAGAGGCAGCTCAGCCATATGCCTCACTGATCCTGTATTTGGTCT  
AGACTTGTTAGATTGAAGATCATGAACCGGAGAAAACACCCAAGCAGTTGGAGCAGAAGGATTCTAACTTAA  
AAAGGATTATTTCTACCTTGTGACATTAATTGAACACAGTTTTCTTTTAAATTATTAGGCAATTGATGACTGTA  
TTAA

>trans\_c\_315 AJ278767|Nicotiana plumbaginifolia mRNA for histidinol phosphate  
aminotransferase (hpa gene), cultivar Viviani

TGCCTCATTTGCTTCTTCATCCTCGTTTCATATCTATTCTCACCATTCCTTTTCTTACTCGTCTTCTATTCTATTCA  
GATAATGCTTCTTTAATACTCATCCCATCATTTACTAACCTAAATGCAGCTTTGAAATATACGAAATTCAGTGGT  
ATTTTGTCATTTCTTGACAGAGATTGATGGCTCTGATTCATATTTCAAATCCCACCCAGTGCTTGCTGAAATTC  
AAGACAAACCTTCTGCTTCTGAGGCATCTTCTCGTCGATCCAATTGCTCTGTTGCAGGTAGAAGGAAGTGGG  
TTGTTGCTATGACATCTCAAATTCCAGCACAAATGTTTCAGGAGACTCAACAAAGCTTGACTGGTGATTCTTTT  
ATTCGTCCCCATTTGAGGAAATTGTCTCCTTATCAACCCATTCTCCCTTTGAGGTTTTGTCAACACGTCTTGGA  
AGGAAGCCTGAGGACATTATAAAATTAGATGCAAATGAAAATCCTTATGGCCCTCCCCCTGACGTTCTTGAAG  
CCTTGGAACAATGAAATTCGAATATGTCTATCATGATCCTGAAAGTCGTCAATTGCGAGCAGCACTTGCCATA  
GACTCTGGTCTTGAATCTGATTATATTCTTGTGGGTTGTGGCGCAGATGAACTCATTGATCTGATTATGCGATG  
TGTGTTGGACCCTGGTGATAAAATTGTAGACTGCCCTCTACCTTCACGATGTATGAATTTGATGCTGCTGTTA  
ATGGCGCTCTTGTCATCAAAGTTCCAAGGAAGCCAGACTTTTCTTTGAATGTGGATCTCATCAAAGATGTTGTT  
TGTAAGGAAAAACCTAAGTGCATATTCCTCACTTCTCCAAATAACCCAGATGGAAGTGTAATTAGTGATGAAG  
ATCTCTTGGAATTCCTTGACCTCCCCGTACTAGTTGTTCTTGACGAAGCATATATAGAGTTTTCTCAACTGAAT  
CAAAGATGCAGTGGGTGAAGAAGTATGAGAAGTTGATTGTACTTCGAACGTTTCAGTAAAAGAGCAGGTTTAG  
CTGGACTTCGTGTAGGATATGGAGCATTTCTTTGAGTATCATTGAATATCTTTGGCGAGCAAAGCAACCTTAC  
AATGTATCTGTTGCTGCTGAAATTGCTGCATGTGCAGCATTGCAGAACCCCTCCTACTTGGAGAAGGTAAAAA  
ATGCCTTGGTACAAGAACGTGAGAGGTTGTATAATCTTCTAAAGGATGTGCCATTCTTAAATCCATTTCTAGT  
CACTCTAATTTATCCTTTGCGAGGTGACATCGGGAAAGGATGCGAAGAAATTGAAGGAGGACCTGGCAAAA  
ATGGGAGTGATGATTCGTCACTATGACAAAAAAGAGTTAAAGGCTATGTTTCGCGTGACTGCCGGGAAGCCT  
GAACACACTGATGCTTTGATGGACTGTCTTCGATGCCTATCATAATCAGTCCATTTATTGGGAAGCTTTAGAAT  
CTAAAGGATTTAAGGTTACCTCTCCGTATGACTTTGATCAAATTATTGCCACAACCTGCTGACTGTAAA

>trans\_c\_316 NM\_127655|Arabidopsis thaliana LIP1 (LIPOIC ACID SYNTHASE 1); lipic acid  
synthase (LIP1) mRNA, complete cds

AACCCACCCAAATTCCGGTTAGGCTTCTTCTCCGAGATCGACGACCGCGATGAACAAACGTTGCCAAAGCCTT  
GCTCGAATCCTCAAATCCGTCAGTAGATCATTCTTCTTCTCATCTTCTTCCACCTCCGCCTCTGCCACATCTTCCC  
AATCCCCGCGCACGTTGGCCGGTCTCCGGGAACGACTCGCAGCGGAGTCCCCATCACTTTCGACTTCGTTGA  
TCTGCAATCTTCTGATTCTGATTCTGTGGAGGTTGGTACGAAGAAGAAGCCCCCTTCTAAACCTAAATGGATGA  
AGGAATCGGTGCCTGGAGGCGAGAAATATGTTCAAATCAAGAAGAAGCTCCGGGAATTGAAGCTTCATACGG  
TTTGTGAGGAGGCTAAATGCCCTAATTTAGGGGAATGCTGGTCTGGTGGAGAAACCGGCACTGCCACTGCTA  
CGATTATGATTCTTGGTGACACTTGTACCCGTGGTTGCAGGTTCTGTAACGTGAAGACATCACGAACTCCACCT  
CCACCGGATCCAAATGAGCCGACAAATGTTGCTGAAGCAATTGCATCATGGGGTTTGGATTATGTGGTCATTA  
CTAGTGTCGATCGCGACGATTTACCCGATCAAGGGAGTGGTCATTTTGCAGAGACTGTGCAGAACTTAAGGT  
GTTGAAGCCAAATATGCTGATCGAGGCATTGGTTCCTGATTTTCGAGGAGACTCTGGCTGTGTGGAGAAAGTT  
GCAAGGTCAGGCCTTGACGTCTTTGCTCACAATATAGAGACAGTTGAAGAGCTTCAAGGAGCAGTTAGGGAT  
CACCGTGCTAATTTCAAGCAATCATTAGACGTTCTAGTTATGGCCAAAGAGTTTCTCCTTCTGGAACCTTTACA  
AAGACTTCCATTATGTTAGGCTGTGGGGAAACACCAGATCAAGTTGTGCAAACAATGGAGAAGGTGAGAGCA  
GCTGGAGTTGATGTGATGACATTTGGGCGATATATGAGACCTTCAAACGCCATATGCCTGTATCAGAATACA  
TTACTCCTGAGGCTTTTGAGAAGTATCAAATCTTGGCATGAAAATGGGTTTTGATATGTGGCATCTGGCCCA  
ATGGTTAGGTCCTCATACAAGGCAGGAGAATTCTATATCAAGTCAATGATTGAATCAGATCGGGCAGCTTCTA  
ATTCACAGCCTACCCAACCTTTGATTATTGTTACCATTTCTATTGGTCATCTGTCCCCAACAAATCCCTACAAAATT  
AACCATGTTGCATGTAAGTTGACATATAAGCAAATTGGACTTTTGATTTGATGGATTTGTCCAGTCGTTTTGTC  
AAATTCTTGCTCCTGATCCGCTGCAGATGTATTGTCACTGTAGCCATAAATTTTTGCTCGACTCCTATATAAT  
ATCTCCCCTTCATCCTGTTCTGACTGATCAGCATAGGGGTATTACTATTCTTGTAAATATTGGAATTGGAATTTTA  
TTTATTTGCTATTTGTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_317 AJ538416|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BC1-M42-012

AGGATCTGAGAGATTTCAACTGCAGTTATCTTCAAGAGATAAATTCTTCTATTCACTCAACAAACAAACAAGTT  
TCTGTCTCTGAATCATCATATTAATGGAGCGTCCCCATCCCTTCTTCAAAATCACTGGAAATCTTTGAACCTT  
CGAATCGTTATGTGCCGAGGGTGGCGGAAATCCGGTATATCGACGTACGGTGCCGGTGGCTCCGAAGGTGG  
TTCCGGTTCCTGTCCGTTTTGTCAAATCCGAAATATCACAGTTGATTCGGCCACCAAATTCATAAGGAGTTC  
AGAGGTTTTCTGGTGCGTAAGAGCTTGAAGAAAGTTGCGGCGATCGAGAGAGAAGTGAATGAGATAGACAG  
GAGGTTTGCGAATGAAGAGACGGTCGATTTGATTGAGAAGGATGATAAGGAGAGGATTAGGTTTGGCGAGA  
TATTGATGAATTTGTTGTTTAGGTTGGATTGCGTGAAAGGCGTGATTCTGGAATTAGGAGTTTCAGGAAAGC  
GGTGATCAAGAAGGCTATTGCATTACAGGAGAAGATCGACTCAATTGCAGCCGCGAATGAAGCTACTAATGT  
GATTGATGAGACTCTCGAACCCGTGACTGCTGAATGTGGTTGTGAAGGTGTTGATCCGAGTTCGGAAGGAAC  
TCTGAATCTCAAGGTTATAATTCCAGAGCATGACGATGATAATTCTACTGCTGGTAACGGTAATTGCGAATCTG  
CTGATGATTGTGATGGTGAGAATGCCGATGGAGTACAAGCGTCAAAACCTGGAGCAATTCCTGAGGAATCTA  
AAGCTTGTTCTTGGAATCGAATGTTGATCCGGAAGTTCCTCAAGAATCGGAGCAAGGGAAGAACTCCCCAG  
AGAACGATGACACGGATCTTGAAGCGGCAATGAGTGAAGCTGAGAGTCAGACGGATTCATCAAACGACGAT  
GGGGTTGCAGAATGTGGAGCTGTAGATGAAAGAGAGGGTGGTGCAAATGAAGAGGATGATAGCAGAATCA  
AAGGAAGAGAGGAGGATGGGAAGAGTAGAGAGCTTCTTGAAAGGATGATGATGGACAACAAAAGAATGAT  
GGAGATGATGGCGCAGCTGTTTGAAAAGAATGAAAAGCAGTCACAATTGCTATGCTCACTGTCTCATAGGGTT  
GAGAGGTTAGAAAAGACACTTTTGTGTGAGATGCTGCGAAAGAAGAAGAGGAATAGTACAGACTGCTCAGA  
AAAATCCCCCAAAACAAAGAAAAGTGTTCTGGAATAACAAATGGCTTCTCAGCATATAGAAGATGATGATG  
ATGTTCTGTAAATGAAGTTTTGCGATGAGAAGTGCAACCGTGTCTAGGTCTATAATGGTAGCAATTCTAGC  
AATGCAAGTTTGGAGATGACATGAAGTATATCGGTTATCAAACCTAGTGTGTTTATGTTCTATTCAAGAAGTTTGA

>trans\_c\_318 NM\_001056811|Oryza sativa Japonica Group Os03g0390600 (Os03g0390600)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_319 NM\_120075|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein (AT4G39150) mRNA, complete cds

AAACCATTC AATTCCACGAACCCCAAGCAAAACAACCTATCAAATCATCTAAATCAACAAACTTTTTCTTCCATATT  
ATTGTCCGTTTAAGAAATTCCGACGCGTTTCTGCCGATTTCCACCGTCTCATTACCTCCGTTCCCAACCCACCT  
TCTCAGATTCTTCTCCGTCGCTGTAATCCCAGTCTCTGCCGTATTCTTCACCCCTCCATTAAACCCATTTCTCTT  
TTCCTCATCGTTCTCAATTTTACGTTGCCGGATCTGATTCCATCATTAAATACCTTTTGAAAAGCTTGAGATT  
AACAGCTATGGTGAAGGAGACTGGTTATTATGATGTATTGGGTGTCAGCTTTGATGCCTCCTCTGCTGAAATT  
AAAAAAGCTTACTATGTTAAGGCAAGGTTAGTTCATCCAGATAAAAAATCAAGGAGATCCAAAAGCTGCGGAA  
AATTTTCAGGTACTGGGAGAGGCTTATCAGGTATTGAGCGATCCTGAGAAGCGTGAGGCGTATGACAAGTAT  
GGGAAGGCAGGAGTACAACAGGAAGCCATGGTGGACCCTGCAGCTGTGTTCCGTATGCTTTTTGGAAGCGA  
GTTCTTTGAAGAGTATGTTGGTCAGCTTGCTTTGGCTGTATTATCATCTTTGGAAATCGAGGACGGTACACCAG  
ACTCAGAGTTACGCAGGCCAAAAAATTCAGGAAAAGTTAAGGCTGTTTCAAAGGAAAGGGAAGATAAACTTG  
TAAACATTCTGAAAGAGCGCTGCAACCATATGTCGATGGTCAGGTTGACGAGTTTGTACAATGGGCAAGTTT  
AGAAGCACGACGACTCTCCTGTGCTGCTTTTGGTGAGACCATGCTGCACACCATTGGATACATATACACAAGG  
AAAGCTGCAAAGGAACTCGGGAAGGACAGACGTTATATGAATGTACCGTTTTAGCGGAGTGGGTGCGGGA  
TAAAGGACACCAGATAAAATCACAAGTGATGGCTGCTTCAGGTGCCGTTTCTTTGATTCAATTACAGGAAGAG  
TTGAAGAGGGCTGAATGAAGGAGATAACAGGGATGAGAACCTGGCAAAAGCCATTGAAGAGAAGAAAAGACG

CTGTTCTTAACTCTCTTTGGCAGATTAATGTAGTCGACATTGAATCTACTCTATCACGTGTCTGCCAAGTGGTTC  
TTAGAGACCCCAATGTGTGCGAAAGACGTATTGAAGCTACGAGCCAGAGGATTAAGGAAGTTTGGAGCAATCT  
TCCAAGGTGCAAAATCAGCTTATAGTAGAGAAAAACAGCCTGAGGCGTGAAAGTGATAGATCAATTGGTGATG  
CTTCAACTTCATGATCTCACACTCTGTTAGTCTCTCCTGCTCAAAGATGGTGATCTGATGATCTAATTCTATTTAT  
TTAAATTATCTTAATGTTTTGTATGCTTTGTTGAGAATTCCTCAATTTTTTTAACATTTTCTTTCTACTTTGTGA  
ATTTATAGCTTACAATCTGTTCTTTTTTGTGTAAATAACAATATTAGAGAAGTCAATTTCAAACATAA

>trans\_c\_320 NM\_111245|Arabidopsis thaliana ATBPM4 (BTB-POZ and MATH domain 4); protein  
binding (ATBPM4) mRNA, complete cds

ACAAAATCCAAAACCAAAAGAAATCCTTTCTTCGTTCTTCGTTCTTCGTTCTTCGTTCTTCGTTCTACCATTTTCTT  
TCTCTTCGTAAAATCTCCACCAAAATCTTCACAAACCCCATATCCCCTTAATACCCATTTCCCTTTTTCGTTTTCTT  
CTTCTTGTTCTAGGGTTTCAATTCCACGCTCAACCCCATGAACATCTCATTTCCCTCATCCATAACACAAGATGTA  
CTCACCCAATAAAAGCCCCTTAGCTTCTCCGACCAGCTCCCGTTCTGTTACAGAGACTATTAATGGCTCCCATAA  
CTTCGTGATCAAGGGTTATTCCCTCGCTAAGGGGATCGGTGTGGGAAAGCATATTTCCAGCGAGAATTTTTCC  
GTCGGAGGTTATCAGTGGGCGATATACTTTTATCCTGATGGCAAGAATCCTGAGGATAATTCGGCTCATGTGT  
CAGTGTTTATTGCCTTGGCTAGCGATGGCACTGATGTTGCGCCTTGTTGAGCTCACTTGGTGACCAGAGT  
GGTGATGGAAAACATAAGGTGCATAGTCATTTGATCGCTCGCTTGAGAGTGACCTTACACGCTTAAGTACA  
GAGGTAGCATGTGGGGTTACAAGCGCTTCTCCGAAGGACTTCACCTGAAACCTCAGTTTTCTCAAGGATGA  
TTGCTTGAAAATAAATTGCACTGTTGGTGTGTTGTGTCCGGAATAGACAGTTCAAGACTACATTCCATCCATG  
TCCCTGAATCAGATATTGGAGCTCATTTTGGTACATTGCTGGAAAATGAGGAGGGGTCAGATATCACTTTCAA  
TGTGTCTGGGGAAAAGTTTCGTGCTCACAAGTTAGTACTGGCTGCTCGCTCTCCTGTTTTTGAGAATGATTTTG  
TGAATATGATGGAAGAGGATAATGATGAAATTCTTATAACAGAAATGGAACCTCGGGTTTTTAAGGCTTTGCT  
GCATTTCAATTATAGGGATACTCTCCAGAAGATGATGAGTTCTTGGAAGCAAGCTCGTCTTCAGTTCCGTCCT  
TGCCTGATTCATTACCTGCGAAGCTGTTAGCTGCTGCTGATAAATATGATTTGCCAGACTAAGATTGATGTGT  
GAATCTGTACTCTGCAAGGACATATCTGTGAACCTCTGTATCCACATTCTGGCCCTTGCTGATCTCTATCACGCT  
GCTGATTTGAAGTCTGTTTGCTAAAATTTACCGCCGAAAATCTTGTTGGTATGTTTTGGCTGATTTTCATTGA  
AGAATTACCATTCATGATCAATTTGAGCAGCTTTGCATATTCAATAACATGGAGTAGAATTATAACATTGTG  
CTTTCCGGTAATCTTTCTTACATTTAACATGACTGAAATAATACGTACAGTGGTATGGTTGAAATTTGTGTACG  
ATGCTGAGCATTGTTTCTTTGAATCAGTCTGCTGAACATTTGTCTTTTAGGTGACTTGGGCGACATTTTACTTT  
TTTAATTAGGATTGCGCCAGTGTCGCCGCGCCGCTTTTCTTCCTCACATCTT

>trans\_c\_321 XM\_002309431|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

CTGTTGATTCTGTAGCAGTTCTTTAGGCAGTCTTTCCCTTGTTGGTTGCCGGGCAATCACTTCACTTGAACTTC  
AATGTCCTAATCTTGAACAGGTTTCTCTAGACGGCTGTGATCATCTCGAAAGAGCATCATTTTCCCCGGTGGGT  
CTGCGGTCTCTAAACCTGGGAATCTGTCCCAAATTGAACGAATTAACCTTGAGGCCCTCGTATGGATTACT  
TGAGCTAAAAGGTTGTGGTGGATTGTCTGAGGCAGCCATCAATTGTCCTCGTCTAACATCATTGGATGCCTCCT  
TTTGTGGCCAACTGAAAGACGAGTGTTTGTCTGCCACGACTGCCTCATGTCCCAGATTGAGTCATTAATACTG  
ATGTCATGTCCATCTGTTGGTTCGGAGGGACTTTACTCTCTGCGATGCCTTCTGAAGTTGGTTGTGCTTGATTT  
ATCATACACCTTTTTGATGAACTTGCAACCAGTTTTTGAAGTCTTGATACAACTTAAGGTATTGAACTACAAGC  
TTGTAAGTATTTAACTGACTCATCGCTGGAGCCTCTTTATAAGGAAGGCGCTCTTCAGCTCTTCAAGAGTTAG  
ATTTATCTTACGGGACACTTTGTGAGTCTGCCATAGAAGAGCTTCTTGCTTGTTGCACGCACCTTGACTCATGTG  
AGCTTAAATGGGTGTGTGAACATGCACGATCTAAATTGGGGTTGTAGCATTGGACAGCTTTCATTGTCCGTCA  
TCCCAATTCCTCTTGGTCAGGCCACTTTTATGAGATCGAGGAACAGTTGCACAGCCAAACCGTTTGCTACAG  
AACCTTAACTGTGTAGGTTGTCCGAATATCAGAAAGGTTCTCATTCTCCAGCTGCACGTTGTTTTCAATTTATCA

>trans\_c\_322 NM\_120894|Arabidopsis thaliana MBP2C (MICROTUBULE BINDING PROTEIN 2C); protein binding (MBP2C) mRNA, complete cds

>trans\_c\_323 NM\_113310|Arabidopsis thaliana GATA transcription factor 1 (GATA-1)  
(AT3G24050) mRNA, complete cds

AAGCCATCGTGTTGACGATAATAATAAACTCATAGTCACAACAACAAACCCCTCTTTCTCTCTCTAGAAAAAAC  
GGGTTTTCTCTCTCTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAGGAAAACAAAAACACACACAAAAATGGAGTCTT  
CTTTGGCTTTCATGGATGACCTTCTCGATTCTCTTCGGATATAGGCGAGGAAGATGAAGAAGACGACGCCGT  
TCCACCCTTTTCCGTAAAGAGCAAATCTTCTTCTACCACGGCGCCGGACTCGTCCGACTTGAACGCCGCTGCTA  
TGCACCCTGATGATTCTTCTTCTTGCCGTGTTTTGCCTGAGGAGGATTATGCGGAGGAAGAACTCGAGTGGTT  
ATCAAACGAAGATGCATTTCCGGCCGTCGAGACATTTGTCGACATTCTCTCCGACCATCACCACCACACGCGC  
CGCAGCCTCCGCCGTTAACGAGCGTTTCGAAACAGAACAGTCCTGTTTCGGTTCTAGAAAGCACTTCAATCAG  
TAGCCATGGTGAAACCATCAACGGTGTTAATAAAACGAGTGTTTCATGGTAGTAGCATTCTGATGAGTTGTTGT

GGCGGTCTGAAAGTTCCCGGCAAAGCCCGAAGCAAGCGCCGCCGTGGACGGCATATTTCTGGTCACCATCTCT  
GGTTCAAGCAGCAACCCAGTTCTGAAGAATCTAAACAAGTGGTACCAACCACCGAGACAGCGGCGGCGGTCTG  
CGGCGACTACGGGGGCGGCGGGGATTGGGAGAAAATGCTTACATTGTGGAGCAGAGAAAACGCCGCAATG  
GCGAGCCGGTCCATTTGGGCCGAAAACGTTGTGTAACGCTTGTGGAGTGAGATTCAAATCAGGGAGGTTAGT  
GCCGGAGTACCGGCCGGCGAGTAGTCCGACGTTCTCGGCGGATCTGCACTCGAATTCTCACCAGAAAGTGAT  
GGAAATGAGAAGACAAAAGCAGTTGGGTATGGTGGTGAATCCAATGGATAAAGGGTGAGTTTGAATTATGG  
GGGTATTTTTTGGTTGAGTTTGATGAGCCATTGATTTCTTTTTCATCCGCCATTAATCTTCTGCTTCTTCTT  
CTTCTTTTAGTTAGTTTTTLAGGTATTTGTTTGTATGTGGGATAGAGATTTAAATTAGTGGAATTTTCTGT  
TTGATGCCAAAAATTCAGTAGGAGAATTTGTCATTTAGTGGGTTTGATTGTATTACACTTCTTTTTATTTTT  
TGGCCTCTCAAGTTATGCATATATAGAAATTAGGGTTTTGTTCAATTTTCAGAGACTCTAAATAGGGTT  
TGTGGGGTTTTTTCTTAATCCTTACAGTATTTGCTTTCTTTCTTGTATGTAAAAATTTGAACTTTTCTGGGTC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGACGCCTCCTCCCTCCACAAGATTATTAACACCACCGACCACC  
ACGAGGGGCCCCGCCACCCCCCTCTTCTATAATGAGGCGTATTATTACCGCTCACCGCTCGC

>trans\_c\_324 DQ822905 | Glycine max MYB transcription factor MYB180 (MYB180) mRNA,  
complete cds

AAAGGAAAAAACACGAAATTTGCTTTCTTTGGACAACCAAAATCTAACCTAATTTCTAGTTTCTTTTTTCGAT  
CGGATCATGCAACTTGGATCCTTTGATCTGGTTGAATTTGAGTTGATTTCTGAAAAGCGGCGGCCTTTTTCGA  
TCGATCCGGCGGCGGAACGATGACGCGGCGGTGCTCACATTGCAGCCACAATGGTCACAACCTCTAGGACTTG  
TCCGAATCGCGTTGTGAAGCTCTTTGGAGTCCGATTGACCGACGTTCCATCCGGAAGAGTGCTAGTATGGG  
GAATCTCAATCACTATGCAGGATCCGGGTGCGGTGCTCTACAAAGCGGGTCCAACAATCCGGCTTCTCCCGGA  
GAGACTCCTGAGCATGGTGTTGCGGCTGACGGATATGCGTCGGAGGATTTGTTCTGGCTCCTCTTAGTT  
GCCGTGAGAGAAAGAAAGTGTTCCATGGACTGAGGAAGAGCATAGGATGTTTCTATTGGGATTACAGAAAC  
TTGGAAGAGGAGACTGGCGTGGGATAGCACGTAATTATGTTGTATCTAGGACACCTACACAAGTGGAAGCC  
ATGCTCAAAAGTATTTTATTAGGCAGACCAATGTATCAAGACGAAAGAGGCGCTCCAGTTTGTTTGATATTGTT  
GCTGATGAACGTGTCGATAATTCCATTGTGCAGCAAGACTTCCTATCTGTCAACAGTTCACATGCTGAATCGCA  
AAGCAATAACCCATTGCCTACACCACCTACTGTGGATGAAGAATGTGAATCGATGGATTCCACCAACTCAAAT  
GATGGAGAAACAGCACCTGCGGAGCCAGATGGCCCCAGTGCTGTTATCCAGTGGTATATCCTGCGTATGTTG  
CACCATTCTTTCATTTTCTATTCCGTTCTACTCGGGATATAGTGCAGAGACCACCAATAAGGAGACACATGAG  
GTTCTTAAGCCAACAGCCGTGCATTCAAAGAGTCCTCTCAATGTTGATGAGCTGATTGGCATGTCAAACTCA  
GTCTGGGGGAATCTATTGGTCATGCTGGTCCCTCTTCTTTCACTGAACTACTTGAGGGGCTCACTAGACGA  
TCTGCTTTCCATGCAAATCCAGCTTCTGGCAGTGAAAATATGAGTTCTGGTGGCAGTCCAATCCATGCTGTTTA  
ATGGATAGTATATTTCTGAACTTCAGATTGTAGGTTATATTTACGAGTTATTGTCAATATACAACAAAATAATG  
TGCAGTCTGGTTTGGTTTATTGATATTTTATGTTAGGTCAGTCTTTTCTCCCCACCCTCCTGCCCTGCCTCG  
CCCTGGTCTCTCCTGTGTTAACTAACTTGTTGTAAGTTAGGCTTTAGCATCTTCCGTTAGAAATCGTCCATT  
CCGACTCTTAAAGATTGTATGTGGTTTATCTTCAGTTTCTGGACTTGAAGCTTATTTATATACTTTGTGACATT  
CTAATTCATGCAGGAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_325 NM\_001060661 | Oryza sativa Japonica Group Os04g0658000 (Os04g0658000)  
mRNA, complete cds

AGATTCCGAGATTTGCACTGACTTGATGATGACTGTTCTGTTATCGAGTTTCTTCTAATCAAAATGCCAACAAC  
AATATAAACCCAACAATTTTCCACCTCCAAGGCTATGGATTAAGACCAACAACGCTCTGATTTCCGATCTGAA  
TCAACAACAACATCAATCCACCGACGCCAACAAATTCCAACGACAAAACCAATCAAAAGGCCTTCTAAATGA  
GCGGCGAAAAGGTTGCGGTATCCTCCGACCTTCTTCTGTTCTGTAGATGTTGTTAAGGGCATCAATGGTCT



CGATAAAGTCGTTCTTCGCGACCCACGTGGTAGTTCTGCTGAGGTCTATTTATATGGCGCCCATGTGACATCTT  
GGAAGAATGACCATGGGGAAGAGATGCTTTTTGTTAGTAGCAAGGCTATCTTCAAGCCTCCAAAACCAATTCG  
TGGAGGGATTCCAATATGTTTTCTCAATTTTCAAATCTTGGTCCACTTGAGGCACATGGATTTGCTAGAAACA  
AATTTTGGAGCATTGACAATAATCCACCTCCTCTTCAAACGAATACCTCCAGCAAGACTTTTGTGATCTAATCC  
TAAAGCCCTCTGAAGAGGATACAAGGGTTTGGCCACATAGTTATGAGTACCGTTTGAGGGTAGCTGTAGGAC  
CTGCTGGAGAGCTATCGTTGACATCACGTGTTAGGAATACCAATGCAGATGGAAAGCCTTTCTATTACATTT  
GCTTATCACACTTACTTCTCAGTATCGGATATAAGTGAAGTTCGGGTGGAAGGTTTGGAGACCTTGGAATC  
TTGACAACCTGCAGAGTAGAGCACGTTTTACTGAACAGGGGGATGCTTTAACTTTTGAATCAGAAGTGGACAA  
GATATATCTTAGCACTCCATCTAAAATAGCAATTCTGGATCATGAGAAGAAGAGGACTTTTGTGGTTTCAAAA  
GAAGGACTTCCAGATGCCGTGGTATGGAATCCTTGGGATAAGAGAGCAAAGGCAATAAGTGATTTTGGAGAT  
GAAGAGTACAAGTATATGCTGTGTGTGGAGGCTGCAGCTATTGAAAAGCCTATCACACTGAAACCGGGCGAG  
GAATGGAGAGGAAGACTGGAACCTTTCTGCTGTTCTTCAAGTTACTGTAGTGGGCAACTTGATCCTCAGAAAG  
TCCTCCATGGCATCTGAAAAATTCATCATTCTGTTTTACTTCACATGTATCAGGTAAATTGTTTTAAATAACTAG  
TGGATCTTGGCAAGACAATTTGCCCTCTCTTATTCTTATTTATTTCCATATTTTGGATTGGGAAATAGGTTTTG  
GACAAGAGAGTAACTGAACAACAGTATGTGGCTTTTTTTGGATGGCTATGGCTTCATAAGTTGAAAGAAAA  
TAGCATTGTGTCTGAACACAAATCAGTATATTTTCTTATAGATGGTACTGAGAACTGTCATAAATTCGGTTTTAT  
CTGGGGAACACTTTATTCTGATTGTTTAGTCTATTGGGGATAAGTTCTGGGTCACTAGTT

>trans\_c\_326 NM\_001061164|Oryza sativa Japonica Group Os05g0145000 (Os05g0145000)  
mRNA, complete cds

TCCCCAACAAAATTTTCGCTCCTCTTTTTCTCTCCATGATCTTACAAGAACCATCTCCCGTTCTTGATGTTTCC  
GATTCATTGCCATCAAGTTCGATCAGGTTTCTGCACCGTCTTATGGCGGTTCTGACTCTCCATCCACCTTGTTT  
TTGCGAATTCTCCATCCATGGCTGCTCGAGGGGTCGATTTCAAGTGGTATGACGGGTTTTTCTTGTCGATGCT  
CGCGACTAGTGTAGTAATAGTTTTCAATCAATTGGAAGAAGTATCATACTTGTTACATCCCTTGATATATGGA  
TTGTGGTTGATTATACTACCGTCTTTGTTTTTCGCTGCTGATGTTTGTGGATAATGGACTTGCCGCTGGCATG  
GGTTTGGACTTTGGGTGGCAGCAGAGGTATGCTCGATTTGTGGAAGAATTGTGGTCCCTTCAGTTCTTGAC  
TTCTGCTATATCCGTTTCTTTGGGCTTGACTGCCATTGGTACTTTATGGTTTAGAGAAGCCATAAATGTCTTC  
CTGAGCAAGGCCAGAAATGGGGGTTCTAATTTGGTTACTTTTTAGCTACTGTGCACTCGTATGCATTGCTTGC  
ATGTCATTGGGAAAGTGGTTAACTCGTAGACAAGCACTCTGTTTCGGGCGCAACAAGGGTTTCCTGTATCAG  
AATATGGGGTCTTGTTGACATGATCCGAGTACCTGATTGGGCTTTTGAAGCTGCTGGACAAGAAACAAGGG  
TAATGGGCCAAGATGCCGCTGCATACCATCCTGGACTTTACTTGACTCCTGCTCAGAGGGAAGCTGTGGAAGC  
ACTTATTGAGGAACCTCCCGAATTTAGGTTAAAGGCCGTTCCAACGGATTGCAGTGAATGCCCTATCTGCTTAG  
AAGAGTTTCACGTAGGGAACGAGGTTTCGTGGCCTCCCTGTGCTCATAATTTCCATGTAGGATGCATTGATGA  
GTGGCTTCGACTTAACGTGAAATGCCCTAGATGTCGTTGCTCGGTCTTCCCAAACCTTGATCTCAGTGCTCTGT  
CCAATCTTCGTTCTGATACTGATAGACCATCTGCAAGTGTTGTTACCGCCAACCGTTATGTGGGATCTCAACCT  
TCCAGCCAGAGTTATCTAGTGAGATTGCAAGGTCTGCTTCGACCTGTTTCGCACCGAAAACAATGATGCACACG  
GTGATTTAGGGCCTGCTAGTGCTTTAGAAGCCGCTGAGAATGGGTCTGCACATGACCAAACCATACCAGAAC  
GGCCTCCTGTAAGACCGTTGTCTTTGATTCACTCCACATCACAAGTCTAGGTAGCTGGGGATGTTTTTCTCCCC  
TTTATACTTTGATTGCTTCTAACGGCTACTGTAAAGCTAAACGATTAGTGTCCACGTCGCTCCATCTACAAATC  
CCGATAACTGTGTAATAGTAAAGCCCAAACGTTTGTTTTTTGGTATCCAAAGAGTTTTCTTACTTTCTAGAAAA  
TTTCATATTTCTCTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_327 NM\_101858|Arabidopsis thaliana pathogenesis-related thaumatin family protein  
(AT1G20030) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAATTTTATCATAAGAAGAATAACTTTTAATTTAACAATATTGAATTC  
TGTCCTCCCAATACCAACAAATGAATCCCAATATCATTATTTTGTCTTCTTACAACCTAATCTATAAAGAATAAA  
CGTAACATAATAATAATAATAATTAATAAATCCCTTTAAAAAGAATCCCTAAAATATTTTTTAAAAAAATCCGCTCTT  
CTCTGTCTAGCTTTTCGCTTAGAAGAAAGTGGTGGATTGGTTGGCTTCCCCTCTATTAACGTGTGCGGTTGAGCC  
TTTTCAATCATGACTCACATCCACATCATCTGGGCCCTAATTAATGGGCCCGGCCACCCACTTGGCCCATCATC  
CATTTCAACCAATCAAACCTCAATCCTATGGGCTCCACCCTCCTCCAGGAAAAATTGGGCAGAACTCCCCTCTT  
GCAAACTACGGTCAATCAAAAGAGTTGCCGAATTTGAAGAATTGCCACCGTGGCAACGACTACCCCTAGAATA  
TGACGGAGACTGGTTCTCGACGCGCCGCTTAAATCATACTCAGCCCTTCGTATACCATTGTGCCGTTGCCGCC  
GTTGAACGCCGGTGTGTTTGTGTTGTGATTATCCGTTGATTTCTGACTAGTGGTGGGTGAAGGGCAGAACGTA  
ATAATATAATCAGCGTCGGCACATGTAAACGTGCTTGTGTTGTCGTCGTAGGCGTAGCTGAAAGCGCGTGGGC  
AAGCGTTTTTGAACACCTGCGAGTACGCGGAAGGTTTACAAGTATCTGGAGTCCCGTACTCGCCACTACAACA  
ATACTGCGGTTGGTTAAATGCTTCACAAGCGCTTTACACGCCACGTTATCACCGCCGTCGACGCTCATAACCT  
TCAGCTCCTGAGGACAAGCGTCGTTTAAATCCACAACGCATCCCGTGCTCATGCATTTCTCGCCGCTGCCGCCT  
TGTGGGACAACCAACATAGGGATATTGTAACCGTCCACCAAACCTTACGTGCAAGAAATCAAGCCCGCCGGCG  
CCGTCGAGAGTGAAATCCGCCAGAGTTGCCGGTGGTTTCGCGCCGTTTCCGGTACATTCGATTTTGTGCGGAGC  
CGCAATCTCCAGTGAGGCAAGGGAATTTACCGGTGGAGTCTTGTGAACAGTGGGTTCCGGCCCCAGAATCGGC  
CACCCCAAGAGGGCGGGAGCGGAGATGGTTTTGGAATCACCGGCGGCGAGGACGAAGCCGGTGGTGGGAAG  
TGGTGAAACTCCGGCGTTGGAGAGAATTCGGGGCCAACTGTGTAATCACATTGGTTTACTATGCTGAAAGTG  
GTGGAGAATACTCCTGTAATCCATAGTTAGAAGAAAATTAAGAATATTAAACAGAAAACATTGATTGAAAGT  
GAAAAAATGTAATGAAACAGAGATGGGGATTTAATTACCTGAGAGTGAAGTTAGGATTGGTAGAAGATATAA  
TAGAAACGAAATTTGTGTAGACATTGAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_328 HM370495|Gossypium hirsutum S-adenosylmethionine synthetase (SAMS) mRNA,  
complete cds

GATGGATGACCGATTTCTTCTTTGAGTCTCTCTGCTCTGAAAGTTCGCCTTCTCTCTTAACATCTCTATCCATTTT  
TCCTCTTCCAGGTTGAGAGAATGGAGACCTTTCTATTTACTTCTGAGTCTGTGAACGAGGGTCACCCAGACAA  
GCTTTGTGACCAGATCTCAGATGCAGTTCTAGATGCTTGCCTTGCCCAAGATCCTGACAGCAAGGTTGCATGT  
GAAACCTGCACCAAGACCAACATGGTTATGGTTTTTGGAGAGATTACAACCAAGGCGGACGTAGACTACGAG  
AAAATCGTCCGAGACACTTGCCGTTCCATTGGATTCTCTCGGATGATGTGGGTCTTGATGCCGATAACTGCA  
AGGTCTTAGTCAACATCGAGCAGCAGAGCCCTGATATTGCTCAAGGTGTCCATGGCCATTTACTAAGCGACC  
TGAGGAAATTGGTGCTGGTGACCAGGGTCACATGTTGCGCTATGCTACGGATGAGACCCAGAATTGATGCC  
CCTTAGTCACGTCCTTGCTACTAAGCTCGGCGCTCGTCTCGTCGAGGTGAGGAAGAATGGTACTTGCCCATGG  
TTGAGACCTGACGGTAAGACCCAAGTTACTGTGGAGTACTACAATGACAATGGTGCTATGGTCCCTGTTGAG  
TCCACACAGTGCTCATCTCCACCCAGCATGATGAACTGTCACGAACGATGAGATTGCAGCTGATCTTAAGGA  
GCATGTCATCAAGCCTGTAGTCCCTGAGAAGTACCTTGATGAGAAGACCATCTTCCACCTCAATCCCTCTGGTC  
GCTTTGTCATTGGTGGCCACACGGAGATGCAGGTCTCACTGGTCGTAAGATCATCATCGACACATACGGTGG  
ATGGGGAGCTACGGTGGAGGTGCTTTCTTGAAAGGACCCAACCAAGGTGGACAGAAGTGGTGCTTACAT  
TGTCAGGCAGGCTGCCAAGAGCATTGTAGCAGCTGGTCTTGCTAGGAGGGCAATCGTGCAGGTCTCTTATGC  
CATTGGTGTGCCGGAACCGTTGTCAGTCTTCTTGACACATATGGAAGTGGAAAGATCCCCGACAAGGAAATT  
CTTAAGATTGAGAAGGAGAACTTCGACTTCAGACCCGGAATGATCACGATCAACCTGGACTTAAAAAGAGGT  
GGTAATAGCAGATTCTGAAGACAGCCGCATATGGACATTTTGAAGGGATGACCTGATTTACCTGGGAA  
GTTGTGAAGCCCTCAAATGGGAGAAACCTCAATCTTGAGATGGGTTGGTCTGTTGAAAGCCGCCATGGAAA  
TTGGAAAACCGACCTTTTTTACTACGGGATGAATAATGTGTGTGCTGCCCCCTTATAATCTAAGGTAGTAGCTG  
CTAATGTTTTTTTTTTTTTCCACATGTGAGATCCTTTTGTCTCGCCTTACTTGTTTCTTCTCTTTCTTTT  
GCTTATTTTACGTTTCATGATGTATCCATTTGAATCAGTTTTTATAATATGGAAGGGGATTACAAA

>trans\_c\_329 NM\_001060820|Oryza sativa Japonica Group Os04g0680300 (Os04g0680300)  
mRNA, complete cds

AGGGAGCGTTGAAGATTTGAAGGAGGCTGTGTATTATATGATGATACCGCAACAATGGGCGTCTCCTTGTGG  
CAACCAATGCACGCAGAAATACGCGGCCCTCACCCAGATTCCCTGGCGGGTATTTTGCAAAAAGGGGTGTGA  
TGCAGATGGGGAAGCCTGGGACGAATGCTTGGAAGAATGCACTGAGATATGCTATAAGGATCCTGTATTAA  
GAACCACCAGTGGAGTGCTTACATTGACCGATCTCCTGGGTCTGCCAGTTACTCAGAGGAATGTTTCCATGCA  
TGTGTATCTGGTTGCGGCTTTAAGTTTGAGGTTGAACCAGAGAAAAGCTGACAAAATCCAACCAACAGACCTG  
CAAAACCAGCACCTGTTGTTTCGAAACCCTCCCCACGACCTCCAATCACTGAATCAATTGCCAAAATGAAGAC  
TTGCCAAGCACTTCTGCATAGCAACACACAATGCCAATAACAAGGAAACCTGACGCATCAAATTGTAGTCAG  
TCTGGCTTACGTCTCCCGTTGCTATGTTTCCCCCGCGGGCTTCCATATTCTGTTGGATTATAAATTATGACAGT  
CACTTGTAAGTTTAGTCCTTCCTTGCCTGTAAAAGGACTTAGGTCTCTGACATAGATATTTTCTATATGCTGA  
GAGTTGCTAATTGCCTGCCTTGTGTAGCTTCCATTGCTCTGGCTTCAAAAGTTGGAGAATTTTGTGAAACGTT  
AATTTAGTATGGGGAATTGGGGAATTAGGCACCTTGTGTTTCGAAAAGAAGTAAATTTTCACTGTAGCTTG  
TCTTCTTTTGTGTTCTTACAATGAGCTCGTAAAAGTAAATTAGCAGGATTCAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTAATCAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCGG  
AACCCAATCCCCAAAAGGGAGTCAAATAACCCGCCCCACGGGCCGTCTTTTAAACGCCGGGACGGGAA  
AAACCCGGGGTTTACCAAATTAATCCCTTTGAAAAAACCCCCCTTTCCCAAGTGGGGGAAAAACAAAAAG  
GCCCCACCAATCCCCCTTCAAAAATTTGCCACCTAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCGGCCAAT  
AAACCGGGGGGGGGGGGGGGTAACCCGAAGGGGGACCGCTACATTTGCCAGCCCCAAGCCCCGCTCTT  
TTCCTTTTTTCTTTCTTTCTCGCCACGTTGCGCGTTTTCCCGTAAAGCTCAAATCGGGGGCCCCCTTTAG  
GGTTCCAATTTAGTGCTTAACGGCCCCCAACCCCAAAAATTTGATAAGGGGAATGGTTCACGAAGGGGGC  
CATCCCCCTAAAAACGGTTTTTCCCCCTTAAACGTTGAAGCCACGTTCTTAAAAAGGGAACCTCTGT

>trans\_c\_330 FJ603465|Hibiscus cannabinus sulfite oxidase mRNA, complete cds

CTCACGAAATCTGTGGCCATCCAACCTTCGAGAACATCTGTGTTCTGCTCCCAAAGATTGAGAAAATGCCTGG  
ATTGATTGCACCTCAGATTATTCACAAGAACCCTTCGTCATCCATGTCTCCGAATCAACGCCAAGGAGCCCT  
TCAATGCGGAGCCACCGCGCTCAACTCTGATTTTCTATGTACCCCTGTAGATTTCTTTTATAAGAGAAATC  
ATGGACCTATTCCATTAGTGAATGATATTGAAAGATATTTTGTCTATAAATGGCCTAATAGACAAACAAAA  
GAGCTGTTTCATGAAAGATATCAGGATGCTTCAAAGTACAATGTCACTGCCACTTTACAGTGTGCAGGGAATA  
GAAGGACAGCAATGAGCAAAACCAAAACAGTGAAGGGAGTTGGCTGGGATGTTTCTGCTCTAGGAAATGCT  
GTTTGGGGTGGTGCTAAATTGGCTGATGTTCTTGAAGTTGTTGGAATACCTAAGTGCAGCTATAGGACACAAA  
AAGGTGGAACATGTTGAGTTTGTGAGCATTGATAGATGCAAGGAAGAAAAGGGAGGTCCATATAAGGGA  
TCAATCCACTTAGCCAAGCTTCAGATCCTGAAGCAGATGTTCTGCTTACGAAATGAATGGAGAACCTCT  
TAACAGGGATCATGGGTATCCGTTACGTGTGGTTGTCCCGGGTGTATTGGTGCTCGCTCCGTTAAATGGATC  
GATTCTATTAACATAATTGCAGAGGAATGTCAGGGTTTCTTATGCAAAAAGACTACAAAATGTTCCGCCTTC  
CGTAAATTGGGATAATATTGATTGGTCTACCAGGAGGCCTCAAATGGATTTTCTGTTCAAGTGTGTCATATGTT  
CTTTGGAGGATGTAGATCATATAAAGCCTGGAAAGGTTAGTTCGTTTCTGTAATTTCAATGTATAGTCGAATAT  
ATAAAATATAGATGATGATGATCTATGCGAAGTATTTCTATTTTCAAGATCTAAGAGCCTCAATCTTCTGCATT  
CTCTGTCCAGGTTAAGTCGTAATTTGGGACATGTAAATCAGAAATTCCTGCAGAAATATTGCTCTACTTGCATAT  
TTATAATCTCGCTCTCATCTTTTTGCATTATTTAGTAAAAATAATTTTCTACTCTCTTGAAGTTAATTTATA  
TCCCTGTGTAGCTACTTTAAAGTTTAAACAAGCAAATGTGATGGTGATCTTCAAATGTATGTCAGGTTACAGTT  
AGTGGTTATGCAGTGTGAGGAGGTGGTAGGGGAATAGAGAGAGTAGACATATCTGTTGATGGAGGTAAAAA  
CTGGATTGAAGCCTCCAGATCTCAGAAGGTTGGTGTCCCATACGTCGCTGATAGTCCGAGCAGTGACAAGTG

GGCATGGGTGTTTTTCGAGGTCACACTCAATGTCCAACAGAACTGAAATCGTTGCTAAAGCTGTTGATTTA  
GCAGCAAATGTGCAACCAGGAACAGTGGAGGAGATATGGAATTTAAGAGGTATACTCAA

>trans\_c\_331 NM\_127706|Arabidopsis thaliana antiporter/ drug transporter (AT2G21340) mRNA,  
complete cds

TCAAAC TTCGCTCCTTTTCAATTCTCCG GCGCCAAAAATGCCTTTCAAATCCTCCATTCTTCTTCTTCTTCTCAC  
TCGTTCTCGATTCCATTGCCCCAGTATTCTCAAACCAATTCTCTCCCTCTTCTTACCCTTCACTCATCCATCTCTC  
TCCTCCCCACCATTACCTTTCCTTCTTCTTCCATTTCCTCCCCTTTACCTCCCCATTTCTCGTCGCGGAATCGCCG  
CCGATTCCCGATTCTTCGCGTTGAGATTGAGAGAGAAATTGGCATTGAAGTACAAAGAGTTGAACAAGTATTG  
GAGATTGAAGGAGAAGAATTGGGGAACCAAGGGTTGTTGAATCAGATGAAGGAGATTGTAACGTTTACTGG  
GCCTGCTATTGGATTGTGGATTGTGGACCGTTGATGAGTCTCATTGACACTGCGGTTATTGGCCAGGGAAGC  
GCTGTTGAGCTTGCTGCTTTAGGCCCTGCGACAGTTTTATGTGATTATACGAGCTATGTGTTTATGTTTCTCAGT  
ATCGCAACTTCAAACATGGTAGCCACGGCCCTTGCCGAACAGGATAAAAACGAAGTTCAGCATCATATATCTG  
TATTGCTGTTTGTGGATTAGTGGCTGGCTTCTTGATGCTCTAAGTACCAAATATTGGGCTCGGTGGCCCTA  
ACTGCTTTTGTGGAGACAAAGAATGCAGACATCATACCTGCAGCAAATACCTACATTCAGATTGAGGTTTGG  
CATGGCCCCGAATCTTACTGGCTGGGTGCTCAAAGTGCAAGTCTTGGCATGAAAGATTCTGGGGACCTTT  
GAAGGCTTTGGCAGTTGCGAGTATTGTAAATGGTATAGGTGATGTGGTCTATGCATGTTTTTAGGATATGGG  
ATTGCTGGTGCTGCGTGGGCAACTATGGCATCACAGGTTATTGCAGCTTATATGATGATAGAAACACTGAATA  
AGAAAGGATACAACGGATATTCTCTATCAGTTCCTCGTCTGGTGAATTTTGTCAATACTTGGCCTTGCTGCT  
CCTGTATTTCTAACAATGATGTCAAAGGTGGTTTTTTATTCTCTCCTCATTATTACGCTACATCAATGGGCACG  
CACACCATGGCTGCTCATCAGGTTATGATTCAAACATTTTGTATGTGTACCGTTTGGGGTGAACCGCTTTCTCA  
AACTGCTCAATCATTTATGCCTGGGTGATAAATGGAGTGAATCGTAGTTTGGATAAGGCTTGGATGTTGCTA  
AAGTCACTATTGATCATAGGAGCCATATTTGGTTTGGTATTAGGGACTATTGGAACATCAGTTCCTTGGTTGTT  
CCCCAATCTTTTACACCGGAAGAGAAGATTATTCAGGAGATGCATAAAGTGTGATTCCATATTTCTTGGCTC  
TAGTCATAACCCCCCGACTCATAGCTTAGAAGGGACATTATTGGCTGGACGAGACCTAAAATATATTAGTTT  
GTCAATGACTGGCTGCCTTCTCTTGGTGCCCTCGTATTATTGATTATT

>trans\_c\_332 AF296080|Dianthus caryophyllus deoxyhypusine synthase mRNA, complete cds

ACGCCCATCATTTTCATCTTTTATCTTACTCTTCATGCCAGCCGTCTCTACCCGGCTCAGACCGTCGGCGGTTCGC  
GCCGTCTCTTTGTGCTCGTGCCCCGCGCCGCTCTTCTAGCAGATTGCACTAACTTCCACTTCATTGTTGCT  
GGAAGTGACACGTTAAGTCAGATGGATGACAATGATGTTTTAGCATCTGTGCGTGCTGCAGTTTTTAAGGAAT  
CAGAGAATCTTGAGGGTAAAAGCATCAAATTGAGGGATATGACTTCAATCAAGGATTAACTACTCCAGCCT  
TATAAGGTCCATGATCTCTACTGGATTTCAGCCTCCAATTTGGGAGATGCCATAGAAGTCGTCAATCAAATGT  
TAGATTGGAGGCTTGCTGATGAGAATGTGACTGAAGATTGTTCTGAGGAGGAGAAGGATCCTATCTTTAGGG  
AGTCGACAAGGTGCAAGGTGTTTCTTGGTTTCACTTCCAATCTTATTTCTTCTGGTGTTAGAGACACAATTCGTT  
ATCTTGTTGAACACCATATGGTTGATGTGATTGTCACTACAACCGGTGGTATTGAAGAAGATCTTATAAAATGT  
CTTGCTCCACGTATAAAGGTGACTTTTCTTCCCGAGCATTCTTCGATCAAAAGGGCTGAATCGCATTGG  
TAATTTATTAGTTCCTAATGATAACTACTGCAAATTTGAGGATTGGGTAATCCCAATTTTGGATCAGATGTTGA  
AGGAACAACGTGAAGAGAATGTACTATGGACTCCGTCCAAGGTAATCCGACGCTTGGGAAGAGAAATAAATG  
ACAAGAGTTCGTATCTTTATTGGGCCTACAAGAACAATATTCCAGTCTTCTGTCCAGGATTAACAGATGGCTCA  
TTAGGAGATATGTTGTACTTCCACTCTTTTCGTAACCCTGGATTGATTATTGACATCATTCAAGACATTAGGGCC  
ATGAATGGTGAAGCTGTTCAAGCAAGTCCAAGAAAGACTGGGATGATAATTCTAGGTGGGGGACTCCCTAAA  
CATCATATTTGCAATGCCAATATGATGCGTAACGGTGACACTATGCTCTCTTCATCAACACTGCTCAAGAGTT  
TGATGGAAGTGACTCAGGAGCCCCGCCCCGATGAGGCTGTCTCTGGGGCAAATTCGGGGTTTCGGCTAAAC

TGTCAAGGTGCATTGCGATGCAACAATCGCTTTCCCGTTGCTTGTAGCAGAAACATTTGCCTCAAGAAGAGAA  
AAGGAGAAGAAGGTCAATGTTGGAGTCTCAGGGAGCTGATTCGTATTAATAATATGAATATTGATTAGTTGAT  
CCTTACAATTGAACTCAAGCTTTAAACACAATAACTTATTGAAAATCTGGGGAGATTCTAGCCTAGAACTACC  
CCTTATATGGAGATGTTGTTTCTATGAAATGGAGTATTGTTAACTACAAATTTGTAGAATAAAATTTAATTATA  
TATTAGAAATCCATTTCATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_333 AL161513|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 25

GGCTTCCGCCATTAGCTATAGAGCTGACGTACTCAAAGATCCGGCGAAGAACCCACAATTTTCCGACATTCCCC  
GTTCTTCTGAAACTCCAATTTATCCTCTCCAAAGAACATATCCCGTCAAATTTCTTCCAGAAAATGCAATCCAA  
AGACTCTAAATCCCCAGAATTACCTGTCCCTTCGCTAATTTCCACGCTCCGAACAATTTCCCGCCACCGACTCA  
TCGTCCCACCCCGTCGCCAATATTCCGGTCAACAACCGACCTAGTCAATCCATAATCCTCTCTCCGGTCCCTCA  
GCCTCAAAGAGTCTCTGTCGTCTCTCCCTTACCATTTCCAAGCTCCTTCTAAAAGAATCCATTCTCCCGATGA  
TATACGCCAATTCACGATTCCGAATCCGGAAGAAATTTTCTTGGTTTCATAGTTGCTCTTCCGAATCAACTCG  
AGGTCGGAAAATTTCTGATCCTTGCTACCAATCTGACACCGTTAATTCATTGTCTCTATTCTTGATACTCTGAT  
TCAATGGATCGACGATATTCCACCGGCGCGTATGGCGTCTCGATATGGAAACCTTTCTTATCGGATATGGCAT  
GCGCAGATGGTGGAACACGCGATTCTTATGCTTCGATTTCTCCCGAGGATCTTCATTAGCCACCGTGGA  
AATTGTGCCCTATTTCACTGATAGCTTCGGGAATTCGAGCCGAATCGACTATGGTACTGGGCACGAGACAAAT  
TTCGCAGCCTGGTTGTATTGCTTGGCTAAATTGGGGACAATCAAAGAGGAGGATTACCCTGCTGGTGTAGTTA  
GGGGTTTCGTGAAGTACCTTGATTTAATGAGGAAAATGCAATTGGTTTATTGTTTGGAGCCTGCGGGTTCCCA  
TGGTGTTCGGGCTTGATGATTACCATTTCTTGTCTACATTTTGGATCATCACAGTTGATAGATCATAAGT  
ATCTGAAACCTAAATCCATTCATAGTCAGGATATACTAGACAATTTCTCCAACGAGTATCTTTATTTCTCGTGTA  
TTTCTTTTATAAAGAAGGTGAAGAAGGGTCCATTTTCAGAGCATTGCCATTGCTTGATGATATTAGTGGGGT  
GCCTAATTGGAACAAGGTCAATAGTGGTTGCTGAAGATGTATAAGGTGGAAGTATTAGAGAAAGTACCCAT  
TATGCAGCATTTTCTTTGGATGGCTCATCAATGGTGTGTATAACAGTTTTTTGTTTCATTTTTGTGTACTAAT  
TAGTTAAATGGCTATGTCTGTTGCAAGTTTGTGCTCTCCATATGCTCCGTAGTATATAGAAATTTGTTTTAGGA  
GGTTTTCATATGTAGGTTTATAAATGAGATCTATTTCTTTAGATCTTAACGAGCTTAATGCTCTTGCTTGTG  
AGTTATGCATCTTTCTTTCAGAAAGAATAAAGTTTATGTTTATAAATAGTAATACTTCGCTGGTCTGAGCATTG  
AGGCTCACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_334 NM\_001064671|Oryza sativa Japonica Group Os06g0634300 (Os06g0634300)  
mRNA, complete cds

ATATACCAATCGTCTGAAATCCGATTAGTTGTTTTGTTTGATTTTCTTCATGTTGGGAGTAAGGAGGATTAA  
ATTATATACTTATCTTTCCCTATTTAAAGCATTTCCATCTTCTTACCCTCCTCTGCACTTCATTCTTCGTGCAATC  
GAGCTTTCTTGAACCTTCGTCGTCTTCCCTTTTCAGCTTCAGAACCTTAAGGCCACTGCTTCATATGTAGGAA  
ACAAAAGTCCAACACTCAGCCGAGGCATGTCTTCTTCATCTGCAACTCTAGAGAAAGTGACTCCTCCGGCTAAT  
ATTCAACAGCTTGAACCTATTGAGTGGAGTTTATGATCGTTATGATGGAGTCATTGTAGAAATGAAGGACCCTA  
TGGACCCAAATGAATTTGGTTCTTTGCTTAGAGCTTCATTATCTCAATGGAAACAACAGGGTAAGAGAGGTAT  
TTGGATCAAATTGCCTATTGAACTTGCAAATCTTATTGAAGTTGTTGTTAAGGAAGGATTTGATTTCCACCATG  
CCGAACCTAATTATCTAATGCTCGTGCATGGATCTCTGAACTACGAATAACCTTCCGGCTAATGCCTCTCAT  
CGCGTGGGCATCGGTGCATTTATAATGAATAGTAATCGAGAGGTGCTTGTGGTTCAAGAGATTAGTGGCAAA  
TTCAAAGGTACAGGAGTTTGAAGTTACCAACTGGAGTGGTTAATGAGGGAGAGGATATTTGTGAAGCAGCA  
ATTAGAGAAGTAAAAGAAGAGACTGGCGTTGATGCAGAATTTGTAGAAGTGTTAGCATTAGGCAAAGCCAC  
AGTGCAATTTTTACAAAATCAGATTTGTTTTTCGTATGCATGTTACGACCACGTTTCTTTGACATTCAAAAGCAA  
GCTTCAGAAATTGAGGCCGCCAAGTGGATGCCATTGATGAATATGCAGATCAACCCTTTGTTAAAGCAAATT

CGGGTTTCGACTACGTGGCAAAAGTATGTTTAGCAAAGGCGAACAACAGCTATACGGGGCTCTCAGCTATGC  
CTACGTATTCTGCGTCTGGTAAATGACGTTCTCTACTCAAACTTGAAATCTGAACTCATACTTCAGCAGCA  
ACATCGATGATGACTCCCTCTAACCTCTGCATTCCAAGAAGCTCAAAAGAATCTGTAAAGTCTTTATGTACAGA  
TCATTTGTGCATTAAATCTCCATCCCGTTTGGTTTGTGGTTTCGAGAAAATTGGGTAATAGTTAGTCAGTCACAT  
GATTTGTTCAATTAATGTATTTATATATTGTTTTTAAATGTTAGTACTAAGGTGGAGTTAATAAGAGTGCTTC  
GAGTTGCAATAAACTTCGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAACGACACGATGTTTCTTTCTAAAATTCAACACC  
ATATAATTATGTTGTAATCAATAAACAACATAATATTTATCAATGATTTTATATCAATGTACTCTATAAC  
ATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_335 XM\_002884846|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TACTACCAATATATCCCTTACCTATCAACTCCAAGGATAAAACACCACGGAAATCACCATCTAATAAATTAAT  
GGTGGGCACGAGATCCGGGCCAAACCGAGCATAGCTTCAACCTGCTGGAAAATATTGATCTGGTGGGGG  
GAGTGGTGACATACATAATAGCAACTCGTCAACTGATGAAAATATGTCATTAACGGCTATTTCAGAAGACATA  
CTTGAGACAAAGATGGTGGATCCTACATCCTTCCCTGATGAAATATCCACATCATATGCTGTTGATAGCCGGAC  
TGATGGGCTAACGAGCTCTTTGTCTCCGACATTGACTTCCAATGGTGATAAAGAGAATGGAGGAATTGCTCTC  
CAGTGTACAGAACCACCTGCCATCAAGATCTCCCAGAAAATAGTCCAAATTATTTGCAGAGAGAACCTGATG  
CGGAAAATTTTCAACAGTTACGAGAGGTGCACATTAATACTGTGGACCTGCACGAACCGAAAATAAGTTGCA  
GCAACAGACTTCTAATGTAAGTGAAGCCCGAGGAACTAGTGAAAGGAATGTGGAATTATTGATGT  
CCTCTGTAGGCAGTGCTGAAAAGTTTGGGCCATCTGATGATAAATCCTTACTGAACTCTGCTGATCAATTGAAT  
GTTGAACTGAGAAGCTGTATCAATCAGGAGAGCTTCAAAGAGCATCCAGAAGCTGGTTGTAGCAGTTGTTTA  
ACATCTGCGGAAGAACTACCGGAATGGAAGTGTGTCATCTGAGAAAGAAAGTGACAGACAGATTGCTTG  
CCGTTGGAGAAAGGTTACACACAGATTGTATGTTGTCGGAGATTACAAGCAATATTCTTCCACGTAAAGATG  
AAATTCATGTTAACTCAGATGGTACTAGTTGTTTCGACACAGATGATCACAATGGAAATGTTTCATCAGCACA  
CAGGGCAGGAAGTGATGTATCAGAACTAAGTACACAAACAGCATCAGGTGGTGATGATACGAAAAGTACAG  
AATCAGAATATCCAAGCCAGCGAAGAGCCGATGCTCTCGAATCCCTACTTGAGCTATGTGCACGGTTACTTAA  
GCAAGACAACTCGAAGAGCTTGCTGGTGTGCTGAGTCCATTTGGAGAAGAAGCTGTATCTTCAAGAGAGAC  
AGCGATCTGGTTGACAAAAGCCTCATGTCATCACAGAAATCTAACGACGGATCTTCTTAGTATCCTAACATGT  
CCACAAAGAAAGAAAAGCAGAGAAGTTCCCAATTATTTATGCATCTTTGTACAATAAACTTAATTGCATTAT  
ATATATATTTTTTCAATGTATAATGTGTTCAATTGTGTGTGCGTTTGATTAACAATTTGAAGGATGCGAGCGTTT  
CATGTTTGTGGAAATTTGACTTTAACATTGCTTTAAATGGAAGAAAACCTGTACTTTGCATTGTATAGAAA  
ACTTATATTTGCACATCATGTATTTAGTGGAAGTTGAATATACCATATCGACAAAGCTTCAAAG

>trans\_c\_336 NM\_112487|Arabidopsis thaliana acyl-activating enzyme 13 (AAE13) (AT3G16170)  
mRNA, complete cds

AGATAGAGTTTTTCAGGGGACAGTAGAGAACTTGAGTGATGATCCTGCACTGATAATTTATACTAGTGGTACA  
ACTGGTAAACCGAAAGGAGTTGTTCACTCATAAAAGCATCACTTCACAGGTTCAAACGTTGTCAAATGCTT  
GGGAATATACATCAGCTGACCAATTTCTGCATTGTCTCCCTGCATCATGTTTCATGGGATGTTCAATGGCTTG  
CTAGCTCCTATCTATGCAGGTTCCACGGTTGAGTTTATGCCAAAATTTAGTGTCAGTGGTATCTGGAAAAGGT  
GGCGGGAATCTTATCCATCCAAGAGTTCTAAATCTGATGATGCTATAACAGTTTTTACCGGGGTTCCAACCATG  
TATGCTCGATTGTTACAAGGTTATGAAGCAATGGATTGAGAGCTACAGCTTGCTTCTGCCTCTGCTGCAAGACA  
GTTGCGCCTTATGATGTGTGGCTTTTCTGCACTTCCTCCTCTATCATGAAACAATGGAGGGAAGTAACTGGCC  
ATGAACTTTTGAACGATATGGTATGACCGAATTTTTCATGGCAATTTCAAATCCTTTAAATGGTCAGAGAAAG  
ATTGGAAGTGTGGCAAACCTTCCCTGGCGTGGAGGCCAAGATTGTTGCAGATGATGGGAGTACCACTGGTT  
CAAGCTTGAGGGTGAGCTGTGTATTAGGAGCCCTTCAATGTTTAAAGAATATTGGAAGCTTCCAAGGTAAC

CAAAGAATCTTTTATTGATGGTGGTTTCTTCAAGACTGGAGATGCTGCCAGACTTGATGAAGATGGTTACTAC  
ATCATACTAGGACGTTTGAGTGCCGATATCATGAAAAGTGGGGGGATATAAGTTATCAGCATTAGAGATTGA  
ATCAGTGATTTTGCAGCATCCGTCTGTACAGAATGTTGTGTGTTGGGATTACCAGACAAAGACTATGGAGAA  
CGTGTCTGTGCAATTGTTGTGCTTCAGGCTAACACAAAAACGACAATACCTGATGGGTCCAATCCTAGTATGA  
GCTTAGATGAACTCCGAACATGGGCTAAAGACAAGCTTGCGCCTTACAAGTTACCGACAATGTTATTGTTGAA  
GGACTCGCTGCCTCGAAACGCAATGGGAAAGGTCAACAAGAAAGAGTTGAAGAAAAAGCTCATAGCCGAAG  
AGTAAACCTAATAGACAATTTGGACCTATTGGCGATGAAAAGCAAGGCATAGATATTTGTTCTTACTAGTAGT  
ATTAGTGTGATTATTTGATTACTTTGGTAATCTCTGCTATTAAGTAATTAATTAGGTTCCATAATGTATACCATT  
CCTAGTCAACTAAGAAACAAACAATGGTTCTCTAATGAACTAGTTGATTTTTGGAAGGAGATGCAAAAGTAA  
TAGAATAATCATTTTATATTTAATTATTCTCGCTTGATCCTATTACTTTGCCTATATATACTGGCTTATTCTCATT  
AATAAAAGTTGAGGGGGAATTTGTACAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_337 EF568782|Prunus persica sucrose phosphate synthase protein 1 mRNA, complete  
cds

AATCAGGCTCACCAGGTGATTCATGGAGAGATTTACAAGACATTTCTCTAACCTGAAGTTTTATTAGACGG  
AGAGAAGAGTGGTGGAACTGATAGATCTCTGAGTCTGATGACAGAACAAAGTAAATTAGAGAATGCTGTATT  
GAGTTGGTCAAAGGGTGTTCAAAGGATTCACGAAAATCAGTTGCCGAAAAAGCTGATCAAAATTCTAATGTT  
GGCAAGTTTCCAGCATTGAGGAGGAGAAAACATCTCTTTGTAATTGCTGTGGATAGTGATAGTATTACAGGTC  
TCGTGGATACCACAAGAAAGTTGTTGAGGCAGTGGAGAAGGAAAGGAGTGAAGGCACTATAGGGTTTATTC  
TCTCTACATCATTGACCATATCTGAAGTAAATTCATTTCTGGTCTCAGGCGGCTACCGTGCTAATGATTTTGATG  
CATTCTCTGTAATAGTGGCAGTGATCTTTACTATTCTCCACAAATTTAGAAGATGATCCTTTTGTTGTTGACT  
TCTATTACCGTTCACACATTGAATATCGATGGGGTGGAGAAGGATTAAGGAAAACCTCTAGTTAAATGGGCTGC  
TTCAGTTTCTGATAAGAACAGTAATACTGAGGACAAAATTGTATCTGCAGCTGAACAGCTTCAACAAATTATT  
GTTACACTTTTAATGTTTCGAAACCTGAAGTGATTCCAGCAGTTAAGGAACTCAGGAAATCGCTGAGAATCCA  
AGCTCTGCGTTGTCATGTTGTTTATTGTCAGAACGGAACCAGATTAAATGTAATTCAGTATTGGCATCTCGTT  
CCCAGGCCCTCAGGTATCTTTATGTTGATGGGGCACTGAGCTTTCAAAAATGGTTGTGTTGTCGGAGAAAG  
TGGGGACACAGATTATGAAGGATTACTTGGTGGATTACACAAAAGTGTTGTTTTGAAGGGCGTTTGTAAACGG  
CGCTGTAAACCAACTCCATGCCAACAGAACTACCCTCTTCCGACGTCGTTCCCGTTGATTCTGCAATATTGC  
ACAAGCTTCTGAAGAGGCTACAAGTTCCGATATTCGAGCTTCCTTGGAGACCATTGGACTTCTCAAATGATAG  
AAATTTTGCAACTAAGCTCTTCTCGGTACGTTTTCTTTTTTAATTGCTTGGTGCCATTTGGCGAATGGTCATT  
ATAAAAATTAAGAAAGAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAGAGGAAAATGGTGAAATAAACTTGGCCACC  
TTTTCTTTTTTTTGGTGATAAAAAAAGGAAGTTGAATCTCAGTTGTGTGCAGTCTCTGTTTTGAGTATTTTTGT  
CATTTTAAGTCTTCTAGATCTGTGGCCAAGACCTCAGAGAAATATTCTCACTTGATACTGTAAAAAATGAATG  
AAATTCTCTCTTAATGGGGTAAGTTTATGGTACGTACATTTATTTTGTAGATTCAATTTGTCATTGTCGTTTATT  
TTAATGAATAATGTTACCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_338 XM\_002875870|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata XH/XS domain-containing protein,  
mRNA

AGAATTTGAGTTAAGAGGAAGAGAATTGGAGAAGCGTGAAGCACAAAATGAAAATGAGAGCAAGTATCTGG  
CTGAAGAAATCGAAAAGTATGAAGTGAGAAATAGTTCTCTCCAATTGGCTGAGCTAGAGCAGCAGAAGGCTG  
ACGAAGATTTTATGAAGCTGGCAGATGATCAAAAGAAACAAAAGGAGGACCTACATAATAGAATAATCAGAC  
TGGAACCAACTGGATGCCAAGCAAGCACTAGAGTTGGAAATTGAGCGTCTACGTGGGACGTTGAATGTTA  
TGAAACACATGGAAGATGTTGAGGATGTCCAGAAGGCAGAGTCAATACTTAAAGAATTGAGTGAAAAGGAA  
AGAGACCTTGAAGAGCTTGATGACCTTAACCAAGCACTGATAGTAAAGCAGCGCAAGAGTAATGACGAACTC

>trans\_c\_339 AY070136|Arabidopsis thaliana AT3g04930/T9J14\_12 mRNA, complete cds

>trans\_c\_340 NM\_001066185|Oryza sativa Japonica Group Os07g0484500 (Os07g0484500)  
mRNA, complete cds

ATCATCTTTCAAATTC AACTTGTCTCCATTTCTCAGCAACCTCCGCGTTCTCTCACTTGCAGTCTCTTACTCCTCG  
CCCACAATTGATTCTCGAATTTCTCCTATTTCAATCGACTTGAACTTTTACAAATAGGGTAGTGTCACACTAGGG  
AGATAGATGGACTCGAAGGAAGCTGGTTCATTGCTTGATAATCTAATTGTGGCTTTCAATGGTCGGATCGCAG



AGCTCCAGGATCTTGTAAATTGCACGAAACATGTATCCTGCAAGTTGTCTCCCTGATTTGTCGGCAGTTGATGCA  
TCTTTAAAGGTGATGGAATTACAGGTGCAGGCGATCAAGAACCAGTTACGAGAAGAAGCTGAAGCAATTCCG  
AAAGCAAAAAAACTTATTGAAGCATCTCTGAAGCAGCAGAAGAGATTAGAAAGTATTTCCCTTCATGTTCCC  
ACTTATTATCAGATTCTGCCCGAGAGAGTTTCTGCGTTGAACTAAATACCAGTCTTGGTTCAGAGGCCAAAAA  
ATCTGGTTCTGAATTGGGCTCCCGAGAGGCTGAGAATGTGATTTCACTTACCTAAGGAGAAGAAAGTTTCC  
TCTCCCCACTTTGGTACATAACCATCGATGAACTGAATTCATCTCATATATGAGAGGAAGGTTAACAGT  
TGACAAGGTCAATGCTGCTGTTAATGACATGGCAACATATGCTGAAGCAAATGCCCACTTATTGGCATCCCC  
AAAAAAAAGCTGGCAGAGAACCTTTGGGAAAAGGCCCTGGAGCTAAGAGATATTGCAGCAACCGATGCAGT  
GAAAGGAAAATATTTCTTTCTTGAAACCGACATGAGAGGACCTTCATTGAACTTGACAATACTGGAAAGGCC  
ATTCTAACTGTCCTACGTCACGTTGGACGCATAAGCGAGACTCGGATTGGACATCAACGAGTAATCTTATTATT  
AAAACCATCATAAATAACCTAGGATTTACTTGGACCCAAGATTACAAGTCTTGCATCAATGAATTCTAGCCTGT  
ATGAAGAGAATCCACTGCACAATTCCTGCAATCCATTTCTCAAGGATTACTCAGCAGATGAGTACAACCGATT  
GTTTTGGAGAAGATTAGACAATCATATAACCCATAAACTGCATTCATCTTATAGATAAATTGGTAGAGTGCTGA  
GTTATTTGGCCGGTCTTTGATTATCATCAAAGAAATTCTCTAATCAAAACGAGAGGCTGTTATCTCTATAGTTCA  
ATCATTTCTTGCAATCGGTTGCAAGGAGCTCATTCTGCTTAGATTTTCACTTGACTTCTTTCAATTAGGCCAA  
CGCTTTTACCTACATTCTTATGCCGTTAAGATTGGAGTTCTAAGATACTGTAGTTTTGAAAGCAAATTCTAAAG  
AATAGGTAGTTTTGGCAAAGAGCCATAACAAACAGAGGCTGCTATGAAGATGTTTTCGTTCAATAAATAGTT  
GACAAAAGTTTGAATCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_341 XM\_002862269|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UBX domain-containing protein,  
mRNA

AAGCGTCGTAAGACAGCGCGAGTTTTCTTCATCCAACGTGCAGTCGCTGTGCCCCGCGACTGTGCATCGGTTTG  
CCGATTGCCAATCAGCCCGTCATTTGCAAATTTCTCAGTCCACTATTACTTGAATTTTGTTTCAGATGGAGCAGTC  
TATATCATCGCTGGCATTCAAGGGTTCATAGCTGAAGCAATTGTGCAATCCAAAAATCAAAGGAACTATTTT  
TGGTTTATATTTCTGGTGATGATGCTAAATCAAGTAGATTGGAAAGTTCAACATGGACAAGTTCAAAGGTGGC  
TGAATCAGTGTCAAAGTACTGTGTTTTATTGCATATTCCTGCTGGAAGTATGGATGCTGCACAGTTTTCGTCAA  
TATACCCACAGAAATCTGTACCATGTATTACAGCTGTTGGATACAATGGTATACAACCTTTGGCTAAATGAGGG  
CTTCATTAGTGCTGAGGTTTTGGCTTCCAATTTAGAGAAGGCATGGCTGGGTCTTCATATCCAGGAAGACATC  
AAAGCAGACATTAAGGAGTCAAATGTACATCATTCTCTGAGTGTTGAGATTCAGAATAATGATGAATTATCCC  
TTGAGCCCTCTGAGAAAGACAAAAGTTCATTGGCACATCCTCGAGACCAGGAAAGCTGTTCCCTAAAAATGC  
CTCAAAAATTGTTAATGACTCTTATATCACTCCAAAGCTTATTGAATCCAGTCAATCAAGAGCTCCACAACCAAT  
GTCTTTAGAAGCCAAGGAAGAGGTCCGAGAAAATAAAGAAATTGTTGATGACAACGCTATAGAAAATGATAG  
TGCCCGCAAGGACTACACGTCAAATGATGTTCAATTAACATTCGCTTGCTGAATGGTATTAACCTACAGGAAA  
AGTTTCCAGGACAAGTACCTTGAGGATGATCAAGGACTACGTGGATAACGGCCAACCAAGTACCTTTGGATC  
TTATGATTTAGCCATCCCATATCCTCGCAAGGTTTTACAGATCAAGATTTGGGTAAATCATTATCAGACCTGG  
GCCTACATAACAGACAAGCATTGATAACGGTTCGACATCGAGGAGTTAGTACTAATTTAAGAGGAGGATCATC  
CTCTGATGAAAGAAAATTTTCAGCCGATGGCGTTTCTTCAGATGAAAATAGTGATGGATATTTTGCAATTCGTTA  
AAAGGATTTTATCTTATGTGAATCCATTCTCTTATCTTGGGGTAGGGGCGAGTGCAGCAAGTTCCAGACATGA  
AACTCAGGGAGACGCACGACAATATAGTAATAGCGCTTTGGAAGCAGAGAACTACTATGTCCGCCAACCAAA  
CCAAGGAACTGCAATGGCGGGTGAAAACAATACTCGAGGCAAGCAACCATCTTCTTCATCTAGATTTGGAGCA  
AATATTCATGGCATTACATATAAAACATGACGATGATGATGAACGATTGAGAAAGTAGGAATTCCTTTTGA  
ATGGTATTCTACAGAGTATGGTGGTGACAATGATAGCAAACGACAATGATGAA

>trans\_c\_342 NM\_102857|Arabidopsis thaliana IMPL1 (MYO-INOSITOL MONOPHOSPHATASE LIKE 1); 3'(2'),5'-bisphosphate nucleotidase/ inositol or phosphatidylinositol phosphatase> (IMPL1)  
mRNA, complete cds

TGGCAATTAGTATCAGATGGTTAAGAGCTACATAACCATTTCCAAATCCTTTGCTCCAAAAGCCCTGAGCTGGA  
TTCTTCCACTTTCATCACTTGAAGAAAAAATGGCCATCTCCATTGCCTTCTCGACGAACACCCACTTCTATTTT  
CTACAATTTGCAGATCAATTTCTTCCCTCAGTCCGTCTCCAATGTTCTTTCAACGCCAGGAGAGATTGCAATC  
GTGGGTTTCTCTCAATTGGACCATTGGACACCAAATTGCCGAAAACCAAAGCTGCATTGTCTGAAATTTCTTAC  
CGCAAGCAGTACCCAAAAGTGGGTGCCAAGTCTATTGGACCCATTCCCCATCCCACCTAATTCAAGTCGTTGA  
GAATGCTGCCAATACTGGAGCCGAGGTGGTGATGGATGCAGTTAATAAGCCTCGGAATGTTGAATATAAAGG  
ATTGACAGACTTAGTAACCGAAACAGATAAAATGAGTGAGGCTGCTATTCTGAAAGTCGTTAGAAAGAATTTT  
AAAGATCACCTCATCCTTGGAGAAGAAGGAGGAGTTATAGGAGATTTCATCATCTGATTATCTTTGGTGCATTG  
ATCCTTTAGATGGAACAACAAATTTGCACACGGCTATCCTTCTTTGCAGTATCTGTTGGAGTTCTGTATCGG  
GGAAATCCTGCTGCTGCAGCTGTGGTAGAGTTTGTGGAGGTCCCATGTGCTGGAACACTCGCATATTTACCG  
CAACGGCTGGTGGGGGAGCATTCTGTAATGGCCAAAAGATTAAATGTGGAACGGTCTCTTCTAGTTACAGGATT  
TGGATATGAACATGACGATCCATGGACTACAAATATGGATTATTTAAAGAATTCACAGATGTTAGCAGGGGA  
GTGAGAAGGCTAGGTGCAGCAGCAGTCGACATGAGCCATGTAGCTCTAGGAATTGTAGAAGCATATTGGGA  
GTATCGCCTGAAGCCATGGGATATGGCTGCCGGTGTTTTGATAGTTGAAGAAGCGGGTGGAGCAGTGACTCG  
CATGGATGGTGGAAAGTTCAAGTGCTTTGATAGATCTGTTTTGGTTTCTAATGGTGTGTACATGACAAGCTTT  
TGGAGAAAATTGGTCTGCAACAGAAAACTAAAAGGCAAAGGAATTGAGTTCTCATTGTGGTACAAGCCAG  
AAAACCTACCAGACAGATTTTTGAGTTATGCCTCTCTCAATTTCACTTCTCAAGTCTCCAAGCAATTATTGCTGTG  
AGAGTTTGACTGAGTTGTTGGGATAAATACATACATCAATATCTTTAAATAATTTGTTCAATTAGAAAAGTTAA  
AAAAAATTTACATTTCAAGGAAACACATGATTGAGAGTGAAGACTCATGTTTAGTGGAATAATATAGTCGATTC  
TCAATTCTCATATCTTAGTTCATTGCACTTGACATATATATCTTCGTTACCAAGGCCTTGCTTCTTCTGAAGCCAA  
AAACGTTTCATTCTGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_343 DQ213015|Nicotiana tabacum sucrose-phosphate synthase isoform B (SPSB) mRNA,  
complete cds

GGACCAGTTGACATTCATCGAGCTCTAAACAATGGGCTGCTTGTTGACCCTCATGATCAGCAAGCAATTGCTG  
ATGCTCTGCTGACATTGCTATCAGAGAAAACTGTGGAATGACTGTAGGAAAAATGGTTTGAAGAACATACA  
CCTGTTTTCTGGCCAGCCATTGTCGCACGTACTTGACTCGAGTGGCAGCCTGCCGCATGAGGCACCCACAG  
TGGCAAACCGACACCCAGGGGACGAAATATCCACCGAGGAATCCTTCAATGATTCACTGAAGGACGTCCAA  
GATATGTCGCTCAGACTTTCGGTTGATGGAGAAAAACATCACTGAATGCGTCGGTCGCTGATGACCCTGATT  
TGCAGGACCAAGTCAAACGAGTTTTGAGCAAGATAAAGAGGTCAGGGAATGAGTCAACAGAGACTGAAAAA  
GGGAATAAAATGCTGGAGAATGCACCTGGAAAGTATCCGATTTTGAGACGACGACGAGATTGATCGTTATA  
GCACTTGATTGCTACGACAGTAATGGGGCCCCAGAAAAGAAGATGATCAAGATGTTGCAGGAGATCATTAAA  
GCCGGTCGCTTGACACTCAAGTTGCACGAGTTTCAGGCTTTGCTCTATCAACAGCAATGCCATTGGCAGAGA  
CTTCAGAATTCTTGAATCTGGAAAAATACAACCTGACTGAGTTGATGCCTTAATTTGCAGTAGCGGAAGTGA  
GGTTTACTACCCGGTTCTTACACCGAAGAAGATGGAAAACTGTATCCAGATCCAGATTACGCTTCACATATTG  
ATTATCGTTGGGGATGTGACGTTTGAAGAAAACGATTCTGAAGTTTTGAGTGCACCTGAAGAAGATTCTGAC  
AAATTTGAGTCCGGCTCAGGAGGATGGAAAATCGAGTAACGCTCATTGCATCTCCTACTTAGTAAAGAATC  
CCAGTAAGGCTATGAAAGTCGATGATCTGAGACAGAAGCTTCGGATGCGCGGACTTCGGTGCCATCCAATGT  
ATTGCGGAAGCTCAACTCGAATGCAATTGTTCTTTACTCGCATCAAGAGCTCAAGCACTCAGGTACCTTTTC  
GTGCGATGGAGATTAAACCTTTTGAATATGTATGTATTCCTTGGTGAGGTTGGGGACACGGACTACGAAGAG  
ATGATATCGGGGACTCACAAGACGATAATCATGAAAGGAGTGTGAACAAGGGGTCGGAAGAGCTGTTGAG

GACATCAGGAAGCTATGCGAGAGACGACATCGTTCCAGGTGAGAGCCCATTGGTGACATTTGTGAATGGGGA  
TGCAAATGCTGAAGAGATTGCAAGTGCTATAAAGAAAGTTTCATTATCTGCATCCAAAATCTGAACTTTATAAA  
GTCCAACCAATGAAACCCAGATTCATGCTTAATTCAGTTTTCTATTATTTATTAATTTCTTTGTATAGTGGTTA  
ATGGCTCTCTTCATCTATAAACTAACTTCCTATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_344 NM\_001056993|Oryza sativa Japonica Group Os03g0440900 (Os03g0440900)  
mRNA, complete cds

TGTTCTCAAAGTTCACCGGTTCCGGGAAGACAAGAAAGCTTTTTTGTAGTTATGTTAACGGTGGTGGGTCCCT  
ACCGCTCCACACCACCACCATTCACGCGGCGGAGCTGTTTCTACCGACCCACCAATCAAAACCCAACACTCA  
CATTGCACTTCTTCTTCTTTCTTCTGTTTTGTAATCTGTTCTGCTCTTAAAAAGTTTCTTTTTTCTTTTTTT  
TTCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTGATTTCTCCATTTTTCTTCTTTTCTTTTCTTTTGACTTGACTGATCGATCTC  
TTTGAGTCAGATTCCTCTTCAATCCCACTGTCTAGTCTTTTTCTTTCTTTTCTTTTCATCGTTTTTACTTCTATTTCTC  
TTCTGGGGTTTTCTTCTATCTCTCTGTTTTTGCTTCTCTCTCTTTATGGCTTATTTTCTCTTTTCTTTCTTTT  
TCTCCTTCTCGGTCTCTCTTTTGCCTGTAATTTCCACTAATTCTGAAGGAAATGCTTGCATGCTTTGAGGAG  
AAGACTGTCTGATCCCACCAATGTGCTGCAGAGTTGGGACCCTACGCTGGTTAATCCTTGCACCTGGTTTCATG  
TTACCTGTGATTCTGATAACCATGTGATCCGCTTGGATTGGGAAATTCAAACATTTCTGGGACTTTGGGGCCT  
GAAATTGGCGACCTCCAGTACCTTCAATATCTGGAATATAACAGGAATGGGTTAAGTGGGAAAAATTCCTACAG  
AGCTTGGTAATTTAAAAAACCTTGAAGCATGGATTTGTATGAGAACAAGTTGAAGGAAAAATTCGAAATC  
TTTTGCCAAGCTCGAGTCACTCAGATTTCTACGGATGAACAACAACAAGTTAACAGGATCGATCCCAAGGGAG  
CTTACATCACTCTCTAACTCAAATTTTTGATGTCTCAAACAATGATCTCTGTGGAACAATTCCAGTTGATGGA  
CCCTTTGCTACTTTCTCAATGGAAAGCTACATAAACAACAGGCTGAGTGGCCCGGAGTTGCAAGGACTTGAC  
CATACGACTTTGGATGCTGAACTGAGCTCTAGCTCATTGATCCTAAGATTCAAATAGCATGGCTTGGACAAT  
GGACGGTATCAGGTTTACGTTGAAATTATTGTTCTGTGGTAATTTACTGCATGTATTGAAAAATATAGGAAG  
CAAATAAAAAATGTATAAGTTTCAATTCTCAATGACAACAAACGAGAATCAGTTCTATTATATAGTCGTCCAAC  
TTTGCTATTTCTTTTTTCCATTTGTTGGGAGGAGAGAATATGCTCAATATTAGTAATAGTTCACTCTTCAAGCT  
TAAAAGTTAACATACCCATGCAGAAATGGGAAGTCTGGCAGTTAGCCAACTAAATTCATATTTCAGTTTTCAAT  
ACTTTCTCTTTTATAAATTATATATAATTTAAAAATTGTACGATGAGACTTGATTCCAGTCTGCCAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_345 XM\_002881884|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

ACTGGAATCGTCTTCTTCGTTTGTTCCTCTCCCTCCCATCTTACTTTCTCCGACGACCGACTGGCACTCCGGCGT  
GCCACTAACGCGAACTGCAGGCGTTCTTCGTTTCCGACAACCTTCGGCTCTTTGTTCACTTCCAGTCCGACGCTC  
AATTGGTTTTGGATCCATCTTCGCCGTATCTCTATGCTTCTAGTTGTGGTCTTGTCAAATATTTAGCATAAGTC  
AATATGCAAGTCCCTTCAGAAGGAGAAAAATGCTTTGGCTACGGTTGGTCTCGGCCAATGGAATGGTCAACTG  
TTCCATATAATCCACCTCAAGGTCCTGGGCCGAATGGGAAACAGCGAACCTCAAGTCTGGAATCACCGATCAT  
GTTGTTATCAGGCCATCAGAGTGCCATATATACATTAAAGTTCAATCCAGATGGAAACGTGATTGCCTCTGGG  
TCTCACGACAAGGAAATTTTCTATGGAATGTACATGGGGATTGCAAGAATTTTATGGTTTTGAGAGGGCATA  
AGAATGCAGTTCTAGATCTTCATTGGACTGTTGATGGATCTCAGATAGTTAGTGCCAGTCTCTGATAAAACATTG  
AGAGCATGGGATGTGAGACTGGAAAACAAATTAAGAAGATGGCAGAACATTCCTCATTTGTCAATTCATGTT  
GTCCACAAGAAGAGGGCTGCCACTAATTGTCAGTGGATCGGATGATGGAACCTGCAAACTTTGGGATATGC  
GTCAAAGGGGCGCTATTCAAACATTCAGATAAATATCAGATTACAGCAGTAAGTTTCTCAGATGCATCAGA  
CAAGATCTTCACAGGTGGAATTGACAACGATGTTAAGGTTTGGGATTTGCGCAAAAGTGAAGTTATGATGAC  
ACTTCAAGGTCATCAAGATATGATACTGGTATGCAGTTGAGTCTGATGGTTCTTATCTCCTCACTAACGGAA  
TGGATTGCAAGCTCTGCATATGGGACATGCGCCGTATGCACCTCAAACCGATGTGTGAAGATATTTGAAGG

GCACCAACACAACCTTTGAAAAGAACCTACTGAAATGTAGCTGGTCTGCTGATGGTAGTAAGGTCAGTGCAGGC  
AGTTCAGATCGGATGGTTTACATATGGGATACAACGTCTCGACGAATATTGTACAAGCTTCCTGGCCATACTG  
GATCTGTCAACGAGCGTGTCTTCCATCCCAGTGAGCCTATTGTTGCATCTTGCAGTAGTGATAAACAGATATAT  
CTTGGGGAGATTTAATCTACATTTGAAATCCTCAATCTGTACTGTAAGTGCTCTTGTCAATTACTTAATTGCTTC  
TATTTTCTAATGTAAGTGACCCACAACAAAAATGATTTTGGACGTAGGATTCAAGGTGACATTTTCTGGGTA  
ATGTAGCAAACGTCTTCATGATATAAAAACTTGCAATTTGAACCTTGTCCCTATGATTTTGTGGGATTAATTTA  
TAGGCTTTTTTGCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_346 NM\_100804|Arabidopsis thaliana CRB (CHLOROPLAST RNA BINDING); binding /  
catalytic/ coenzyme binding (CRB) mRNA, complete cds

GGCTTCTAAATGGGAATCATGGCAAACCAATGGCTGCTCACCACCAAAAATTTACTTCATTCTCTGTTCTTCCT  
TCTTCTCTTCCGATTTCAATGGCGCCAGACTCCACGCCCAAGTTCAGTATAAAAGAAAGGTTATGCAGCCAAA  
AGGAGGATTACATGTTACGGCAAGTGCCAAAAAGAACATTCTTATAATGGGTGGCACTAGATTTATTGGTATA  
TTCTTATCTAGACTTCTAGTCAAAGAGGGTCATCAGGTGACTTTGTTTACAAGAGGAAAAGCACCTGTTACACA  
ACAATTGCCGGGCGAGTCGGAAGCAGATTATGCCGATTTTAAATCCAAGATTCTGCATTTGAAGGGAGACAG  
AAAAGACTTTGATTTTGTGAAATCCAGTCTCTCGGCCGCGGGGTTTGATGCTGTTTACGACATTAATGGGCGA  
GAAGCAGTTGAAGTTGAACCAATTTTAGATGCTTTGCCTAAGCTAGAGCAGTTTATTTACTGCTCTTCAGCTGG  
TGTATACCTCAAGTCTGATCTCCTACCTCATTTTGAAGTAGATGCAGTTGATCCAAAGAGTAGACATAAGGGA  
AAGCTTGAGACAGAGAGCTTACTGGCGTCGAAAGATGTTAATTGGACTTCTATAAGACCAGTCTACATCTATG  
GACCATTGAACTACAATCCTGTGGAAGAATGGTTCTTCCACCGGTTGAAAGCCGGTCGCCCATTTCCAATTCCC  
AACTCAGGCATTCAAATTACTCAACTTGGTCACGTCAAGGATTTGGCAACTGCTTTTGTTCAGGTTCTTGGTAA  
CGACAAGGCAAGCCAGCAAGTATTCAATATCTCTGGTGAAAAATATGTTACATTTGATGGGTTAGCCAAAGCT  
TGTGCTAAGGCTGGAGGCTTTCCTGAGCCCGAGATTGTTCACTACAATCCGAAGGAGTTTGACTTTGGAAAGA  
AGAAGCCATTCCTTTCCGTGATCAGCATTTCTTTGCATCGGTTGAGAAAGCGAAGAGCGTGCTCGGGTGGA  
GCCCCAATTTGATTTGGTGAAGGTCTTGCAGACTCCTACAATTTGGACTTTGGCAGAGGCACCTTCAGAAAA  
GAGGCTGATTTTCAACAGATGACATAATCCTTGGCAAGAGCCTGGTTCTTCAAGCTTGAGGCATCCCTTTTCA  
TTTTTTCTGTCGAGTTTAACTTATTTTCTACCAAGCTGCAGGGGTTAGTCGACCGATCTTGGGTTGAGAAGT  
CAATTTTAGGAATGTTATTTATGTATATGTATGGGATGGAGATTTTTTAGAGAAGCATTAGAACTAGGCCTTGT  
CAATTCATTAGAGACCTTCACTCAAGCATAGATAAAGTCAAATGTTTATGTATCATATGAAAAATGCAGTATAA  
ATGATGTCATTTGTTTCTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_347 HM122645|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR20)  
mRNA, complete cds

TCTTTACAAAAGGAGGAGATTTTTCGACCGAAGCTCCATGGTGAATTCTGATGGAGGAATGAGCAGTGAAAG  
CGTAACCAACTCTCCTGAAAAGAGCGTCCACATCGATAAGTCTAGTTTAGCTGCAATATTGCATGGAGCAAGT  
GTTCAACCATCATCAGGTCAACAAGCATCCTTCTCTCAAAGATGCTCATGTAAAATTTAGCATTAGATCATTC  
AAGGTGCCAGAACTATTTATTGATGTCCCCGAAAACGCAACTGTTGGTTCCTGAAGAAGATAGTACTTGAGG  
CAGTAACTGCTATTCTCAAGGATGGATTACACGTCGGGGTCTTGTTACGGGAAAAAGGTTAGAGATGATAA  
CAGAACCCTGTTGCAGACAGGACTTACCTGTAAAGATAATTTGGATACTGTCGGTTTACGCTGGAGCCAAAT  
CTTGTGCATAATACTACACCGGCTTTGTGTTCTGAGGATCCCCCTCAGATATTAGCATGTGACATGACTGAACT  
TCCACCCAGCTCTCCTGTAAATCCTGTTTCGAGCTCGGTAATACTAGATGTCGCCTTACCAAATAATTCACTGAC  
CAACTCCCCAAACCAAGATGAAAATAAACACGAACTGATTACTACCAGCATTGACAAGTTACCTGACAATTCTT  
TACAAGATTGCAAAGCTTTGGTTCCTGTTCCAGAAATGACTATGGAAGCATTAGCTGCAGTTCCTTGAATCCA

AAATCTAAGCGTTCAGAAGTTATACAGCGTCGAACCAGGAGACCCTTCTCCGTTTCAGAAGTAGAAGCGCTGG  
TTCAGGCTGTTGAGGAGCTAGGAACTGGAAGGTGGCGGGATGTTAAATTCCGTGCATTTGAGAATGCAGATC  
ACCGAACTTACGTGGATTTGAAGGATAAATGGAAAACCTTGGTTCACACAGCAAGAATATCGCCTCAGCAGA  
GAAGGGGAGAGCCTGTCCCGCAAGAACTTCTGGACCGGGTGCTGGCTGCACATGCTTATTGGTCGCAACATC  
AGGCAAAGCAACATGGTTCCAAGCATCTTCAAGCTGGAGTCGTGAAGGCCATTGAGGGCTCCAGCAGTTAAG  
CTTGTCGTCGAAAAGAAATTTCCACATATAATGTAAAAAGGAATAGTAGGTATATTTGACACTTTGCTGTAAT  
CAATCAAGGCAAATTGTAAGCATGATTTTAATTTCTTGATTCTCTCACACTTCGATTCATTGTTTAGATTTCCCA  
TTTGGGAAGAATTGTCATTTGTAAATATGATTCTTGTAATAATGAGATTCTAACAGAATTCTTTCTGTGTTTAGA  
TATTCAGTGTATTGAGTTTTATTGTAGTTTATCAATATCATGAACTCAACTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_348 NM\_103632|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related  
(AT1G47380) mRNA, complete cds

TGGTTTTGTGAAGACAGACAAAGATTTTCAAGCAAAAGCACAAACATCAGGAACCACAGTCACCTTCATGATC  
ATTGAGGGATGGGTTCTCACTGTTGCCTCTGTTGGAGATTCCCCTGCACTTTAGAATCATCTGAAGGCGGCA  
TATACTACTTATCTGCAGATCATAGACTAGAAAGCAACGAAGAAGAGAGAGAGCGTATAATTGCTAGTGGTG  
GTGAGGTGGGTCGGCTGAATACTGGTGGTGGTGCAGAGATTGGTCCATTGAGATGCTGACCTGGTGGCTTGT  
GTCTATCACGATCAATCGGTGATATGGATGTTGGCGAGTTTATAGTGCCTGTTCCCTATGTGAAGCAAGTTAA  
GCTATCTTCTACTGGTGGTAGGGTTATTATTTCAAGTGATGGTGTGGGGATGCTTTATCAGCTGAAACAGCCT  
ATGATTGTTGTGCGGGGATGCCAGTGGAACTGCTGCCGCACAGATTGTGAAAGAAGCAGTTCAGTCAAAGG  
GACTTCGAGATGATACTACATGTATAGTGATTGATGTATTACCAAGGAGAAACCATCTACTGCTTTGCCACCA  
CCGAAGGAGCAGGTAAAAGGAATGTTTAAATCAATGTTCCGCAAAAGGTCTTCTGAATCATCTTCTCATTTTGA  
GAGGGAATATAATGAGCCAGATGTTGTCGAGGAATTATTTGAGGAAGGATCGGCTATGCTGTCAGAAAGGTT  
AGATTCCAAGTATCCAGTCTGCAACATGTTTAAAGCTGTTTGTATGTGCAATATGCCAAATTGAGATCCAACCTC  
GGGGAGGGTGTCTCCATATATGCCGGCTCATCTAACCGAGGAAAATTGCGTGCTTGGGATGGACCTTTTCTAT  
GCTTAGGTTGCACAGAGAAGAAAGAAGCTATGGAAGGAAAAAGACCATCTGGAGATAGACACAGCAGCGGA  
AGTGACTAGCGTACTTTTCAATTACACTTCATTGTGGGTGCACTGAGCAGAGTTGATTGCGATCTTGAAAATG  
GCCAGTCTTAGAAAATTTTCAAGTGTGACCTTCATCTCGAAAATGGACCCCTCTCGGAGGTTTTCTCAATTCTCA  
TTGCTTTTATTGAGAATTTGGATCACTTTTTGGATTCCACGACAATTCCATTGGGAAATATAGCTCTCTAGTGTT  
ACTATTCAAGGCAGGAGATTGCCAGTTAGAGTTGATTGCTTTTGGATACTGTTTTCTGACACCAGTTTATGATT  
GACGTGCTTGCCTCGCATCTTGGGAAGCTTTGATAAAGTCGCCTGTATATGACACTGAAGAGTGAAGGTAAA  
TCATTTTAGTTTCTCATTCATCCCCTTATCTGCTTGCTTCCAACCTACAATGCCACTGAATGAACATATTCGT  
CATTGTAATTTAATATATAGGGGAATTTTATTAGATATTTTATGCTCACTGTTGGTTAGGAGGAAATCCCTTGC  
AACACAGCTGTCTAGATGAATTGTTTCATACACATTTGATTACATTCTCT

>trans\_c\_349 NM\_001070242|Oryza sativa Japonica Group Os09g0521500 (Os09g0521500)  
mRNA, complete cds

AATCGGACTCGAACTCCTCCTGTAAATTGATTTCTTTGGAAGAGGAAGAAGAAGAAGATCGGCCACTTCAT  
TCCTTCGCTTTCAATCCCAAATCCGCGATCACATTCAAAGCCTACTCCAGTCGCCAGTCGCCAGTCTCTCTTAT  
AGACACAGAGAGAGAGGAGAAGAGAGATAATCTTGGGAGCCCCAAAAGATGGCCGAAGAATTACCAGAAG  
GTACGGTTCAGAATCTACTGGATCAAGAGTCTCTTAAATGGGTTTTTGTGGTGGCAAAGGCGGTGTGCGAAA  
GACCACCTGCAGCTCCATCCTCTCCATCCTTCTCTCCCGTGTGAGATCCTCTGTTTTGATTATCTCCACCGACCCG  
GCTCACAATCTCAGCGATGCCTTTCAGCAGAGATTCACCAAGGCACCCACCTTGGTTAATGGCTTCTCCAATCT

CTATGCCATGGAAGTGGATCCTACTGTGGAAAATGAAGAAGTAGGCGAGGGGATGGATGGCTTATTTTCTGA  
GCTAGCTAATGCTATTCTGGAATTGACGAGGCAATGAGCTTTGCAGAGATGCTCAAATTAGTACAAACAATG  
GATTATTCTGTAATTGATTTGACACGGCTCCAAGTGGCCACACTCTGCGGCTGTTGCAATTTCCATCAACTTTA  
GAGAAAGGGCTTTCAAAGATAATGTCTTTGAAAAGTAAATTTGGAGGCTTATTGGGTCAGATGACCCGTATGT  
TTGGTGTTGATGATGAGTTTGGTGAGGATGCAATTCTGGGAAGACTGGAAGGGATGAAAGATGTGATTGAAC  
AAGTTAATAGACAATTCAAAGATCCTGATTTGACTACATTTGTCTGTGTCTGCATTCCCGAGTTTCTCTCGCTTT  
ATGAAACAGAGAGACTAGTTCAAGAACTTACCAAGTTCGAGATTGATACTCACAATATTATCATTAAATCAAGTA  
CTTTTTGATGATGAAGATGTTGAATCCAAGTTACTGAAAGCAAGAATGCGGATGCAACAGAAATATCTCGACC  
AATTTTACATGTTGTACGATGACTTCCACATCACCAAGTTGCCATTGCTGCCTCAAGAGGTGACTGGGGTTGAA  
GCTCTAAAGGACTTTTTAGGTCATTTTTTGAAGCCATATGAACCAACGACCAGCAGAGATTCAATAGAAGAAT  
TGGAGAGAAAAATATCAACGTTGAAGCAGCAACTGAATGATGCTGAAACTGAGCTTGATAGAATTAGAAAAAG  
GGAAGCAAAGGCGTAGAGCCCTACTACACCCTTCTTTTCTCAACTCCCTATTTTCTTTGTCTTTTGT  
ATTTGTTTCATCTTTTCTTTGAATTTATTTTTCGAAAATTATAATCTCGAAAGTGGCATCCCAGGTAAACAATGC  
TGCGTAGGCTGCTTTTAATTAGCTTATATTTATTTTGGAGTATTTTCTGGTGTATCCATTTTCTGGTTAATATAT  
AGTTGTTTCATACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_350 AY103992|Zea mays PCO096443 mRNA sequence

ATTCTCACGCGCGCTGGACGTTTCTCATACTCATCCGTCGATCTCCACAATCTTCAGATCAGGAACTCTATTCC  
TCCAGGGTTAACACCGGCGAATTTAGATCAAATCCAATCCCTCTTTCAGATTCAAGGTCGGAGATTGATAGTT  
AATCATGTCTACCGCCGCTGTCCTTGCAGCTTCTAGCTCCTGGGCTCGCGCTCTCGTCAACATCTCCCCCTACAC  
TTTCTCCGCCATCGGCATCGCCATCGCCATCGGCGTTTCCGTCTCGGTGCCGCTGGGGGATTACATCACGG  
GAAGCAGTTTGATTGGTGCGGCGATCAAAGCTCCTCGTATTACTTCCAAGAACTTGATTAGTGTAAATTTCTGT  
GAAGCTGTTGCTATATATGGTGTCATTGTTGCCATTATCTTACAGACCAAGTTAGAGAGTGTGTCAGCATCTCA  
GATATATGCTCCCGAGTCTCTAAGAGCAGGATACGCAATATTTGCTTCTGGAATCATAGTTGGCTTTGCAAACC  
TCGTCTGCGGGCTGTGTGTGGGAATCATTGGAAGCAGCTGTGCATTATCAGATGCCCAGAACTCCTCCCTTTT  
GTGAAGATTCTTGTAATCGAGATCTTTGGCAGTGCATTGGGTTGTTGCGAGTAATTGTTGGGATAATTATGT  
CAGCTCAAGCCTCTTGGCCTGCAAAGAGAGGTTAATGATATGCCTCTTGGATTTTGAACACGAGATGTTAATG  
TTCAATTACGATGGGAAGGGTAAGTTGTTTTCTACTCTTGAGCTCTGTACTTACCCCTTCGATAGATAATGATA  
TTCTTCTGTAAAAGCTAGAGTGGGAAGTTTGTATGCATCTTTAATTGTCTGGGTTTCGATCCGCTTCCCTTG  
AAAACCATTTCTTATTCTGATGTTGGTTTAAATAATCTTCTTTTGCCTTCTTTTGTGAGGAAACGCTTTAT  
ATATTGTTTTTGTATTGTTGAAAATACTGGAGATATTCAATAAGAGGAAGCCAATGTAGTAGGATTGCTTCCTT  
TCCAGACGTGTGTAACATATTTTCTTGAATTTAGTTCTTGAATCTTTATTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAATTTATCAAACCCGCC  
ACCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTTCCCCCTAAAGGGAGCCTAATACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTT  
TTAAACCCCCGGGCGGGGAAAAACCTGGGGTTTCCCAATTTAATCCCCTTGAAACACTCCCCCTTTCCCCGG  
TGGGGAAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCCAACCCCCCTCCCAACATTTGCCACCCGGAAGGGCAAAGGGAA  
CCCCCCTGAACCGCCCTTTAACCGCGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_351 DQ787050|Glycine max bZIP transcription factor bZIP109 (bZIP109) mRNA,  
complete cds

AGCAGCAGCAGGAGCAGAGCCTCAATCCTCTACTTCTCATGATCTGCGATCCACTGACGCCACCTCCACCATT  
CTCCTTCTCCGTTCCGGCAGTTCCGCCGCCGCTATCTACGGTTAATTTAATTTAATATAGCATTTCCGATAACTAC  
TCCAAACTTAATTCTTGTCTCCGAGCTCCAATTCTCCGCTCTAGGGCTTCTGATTTGACGAACACCACTATGG

CTATGCAAACCTGGAGTAGGGCTTTCTAAGATCCTGATTCTTGTTGGAGCTGGCTACTCTACTACGATCATGCTT  
AAGAATGGTAAATTGTCCGATGTATTGGGTGAACTTCAGTCCTTGGTGAAGGGCATGGAGAAGTCTGGGGAG  
CAATCCGAGGGTGATTCCGACTACGCTGATGCTATTGCTGCTCAGGTGCGTCGACTAGCTATGGAGGTTTCGAC  
AACTCTCCTCGTCACGACAGATAACTATTCTCAATGGAACTCTGGGAATATTGGTAATTTATCATCTCTCATAG  
TTCCAGCGGCTACTTTGGGTGCTTTGGGATATGGATACATGTGGTGGAAAGGGACTTTCTTTTCGGATCTTATG  
TATGTTACAAAGCGCAATATGGCTAATGCTGTCTCAAACCTAACTAAACATTTGGAGCACGTGTCAGAGGCCC  
TTGCTGCAACAAAGAGGCATTTGACACAGCGGATTGAGAACTTGGATGATAAGATGTTGAAGCAGAATGAAC  
TCTCGAAATTGATTAAAGAAGATGTGGCAGGTGTTCAAAAATCTCTTCCGACATTGACTTCGACTTGGGCGA  
GTTGCACAACATGGTTTCTGGTTTGGACGGAAAACTATCTCAACTTGAATTTAAACAGGATTTTGCAACTCTTG  
GTGTAATGTACTTGTGCAACGTTGTCGATGGAAAGCAAGTAAAAATGCCTGAAACATTAAAGGAGCAGTTTA  
AAATTTAGGCAAGGCTCAGGGTCAGCTGATGCCTCTGGAATCTCCAGTCTTAAGGGTCTTAAGAAGCTCAC  
TGATACTGTCAAAAAGATCTTACATGCGAGCAACCAAGAGCCCTGCTCAGGTCCACATCGACGAGATGTTAA  
TGAGAAGAGAGATTGTTTGTCTGCACCCTCCCGTGTTAATTCTACCATCATCCACATAATTTGTTTAAGTTGTT  
AATCATACATATATCCCAAGGAGGCGTTCTTTGGGCATTTCTTGTATGGATTTTCTTTTCTTTTCCCCCTAAA  
ATCTATGAATAGTTTATGTTGGCAATGAGTATATTACGGTATGCGATGTTAGGACATTTTGGGGTGTGATTACT  
CCTTCACACAAATAAACTTTTGTATTGAGAAAATTTAGTCTACTTCCAGATTCTACAAAAATCAATGATACGTAA  
GGGTCATGGAACAGAATTTTACCCCGCGGTTGGCTACTACTTTTGCTTCTAGTTTTTTTTCTCTAAATCACTGT  
TAATTTAGAAAAA

>trans\_c\_352 FJ896113|Medicago sativa fructose biphosphate aldolase mRNA, complete cds

GTTGGTGAAGAAGCAAAAAAGATAAGATTTTTTTGAACCTTACCCTTCGTTTCTCAAGTCTGTGTTCAACCTCTT  
CCTTCTTCTCAATTCAACTCTTCAATGGCTTCTGCTTCTGCTTCTTCTCAAATCCTCCCCTGTTCTCGATAAGT  
TCGAGTGGGTAAAGGGCCAGTCCCTCCGCCAACCTCCGTCTCCGTGCTCCGCTGCCACCCACCGCCGCCCT  
TCCACTCTCACCGTCCGCGCTGGCTCTTACATTGATGAGTTGGTCAAAACCGCCAAAAGTGTGGCGTCTCCAGG  
ACGTGGAATTTTGGCTATGGATGAGTCAAATGCAACTTGTGGAAGCGTTTGGCTTCCATTGGATTAGAAAAC  
ACAGAGGCTAACCGTCAAGCTTACCGAACTCTTCTCGTAACTGCACCCGAACTCGGCAAGTACATCTCAGGTG  
CTATCCTCTTTGAAGAGACTCTCTACCAATCCACCGTCGATGGCGAGAAGATAGTCGACGTTTTGGTCAAGCA  
AGGCATTGTCCCTGGAATCAAAGTTGACAAGGGTTTGGTTCCACTTCTGTTTGAACAACGAATCGTGGTGC  
CAAGGTCTCGACGGCCTTGCTTCTCGTGCCGCTGCTTACTACCAACAAGGCGCTCGTTTCGCCAAATGGCGCAC  
AGTCGTGAGCATTTCCCAACGGCCCATCAGCCCTTGCTGTCAAGGAAGCCGCTGGGGTCTTGCTCGCTACGCT  
GCAGTCTCACAGGACAATGGATTGGTTCCAATCGTCGAGCCGAGATCTTGCTTGACGGTGAGCACGGGATT  
GACAGAACCTTCGAGGTAGCACAGAAAGTTTGGGCAGAGGTCTTCTTCTACCTTGACAGAGAACAATGTTTTGT  
TTGAAGGAATCTTTTGAACCAAGCATGGTTACTCCTGGAGCTGAGAGCAAAGACAAAGCAAGCCCTGAGA  
CAGTTGCTAAGTAACTCTTTCTTCTCCAAGAGGAGGCTCCCTCCTGCTGTTCTCTGGAATCATGTTTTATCA  
GGTGGGCAATCTGAGATAGAGGCTACATTGAACTTGAATGCCATGAACCAAGCACCAACCCATGGCATGTG  
TCCTTCTCATATGCTAGAGCTCTCCAAACACTTGCTTGAAGACATGGGGTGGACGACCAGAGAATGTGAAGG  
CCGCACAGGATGCTCTGATTCAACGAGCCAAGTCGAACTCCCTCGCCAGCTTGGGAAGTAACTGGTGACG  
GTGAGTCTGACGAAGCAAAGGAGGGAATGTTTGTCAAGGGCTACACATACTAAGCTTTTCTATAGATCAAGA  
AGATGAAAAAAGAAGAAGCTGATGATGGTTGAAGTTGGAGACTAATTGCTGTGTTTATTGTGTTTATGAT  
GATGATGCTTTATAGCAATTTAAAAAGAACAAAAAAGAAAAAATACTATTTTGTGTATTCTTAGCA  
GCTTAATGAACATTTTGGTGATGATTTTAAAAA

>trans\_c\_353 BT010341|Arabidopsis thaliana At1g08760 mRNA, complete cds

AACCAATGCTCACATGGTAGCTGAATCTCTTCGAAAACCTGTCTCTCTGGTTCAACCAATGAGAGCGAAGATA  
CTGCTTCAGAAGAAACATTGAAGGTCACATCAATGGCAAGAAAACAGGCATCTGCTTGGGTCCAGGCGGCTT  
TAGCCACTAACCTTTCATCTTTTGCAGTTTACAGCCGTGATCCATCCTCGGCTCTAAACATGCCCTTATCTCTATC  
TCAGAACCAAAAAGAGTGCTTCTGCAAATCAGCCTATTGTGGTTTTAGAAAACCTCATCTAAGAACAGCTCGTCA  
AAATCCCAAGGGAAAATCCGCCAGATGATAAGCTCTAAACCTATTGGATCAGGAAATCCAAGTCGAATGAAG  
GACGGAGCGACACTCGGTCAGAAGATGCAGCCTCAACCTCCACCAGAATGGATCAGAGGAAATGGCCTCAAC  
GAAGCAGTCGACTTGGCCGAGATGTTAAGACTGCAATCCCAGGACTGGTTCCTTGACATTCATGGAAAGGTTTT  
TGGATGCCGGGGTCGACACTGCAGCCTTGTGAGATAATGGACAATTAGCAGGAATATTGACTCAGCTGAAGA  
GTGTAAACGACTGGTTAGATGGCATATCTTCGAACAAGGACGAAGGAGACATCACTCACATTTCAACTGAGAC  
AATCGACAGGCTGAGGAAGAAGATCTATGAGTATCTTCTCATGCAGTTGAGTCTGCAGCCGCTGCACTTGGC  
GGGGGATCACAGCCACCACCACAACAAATACAGGCAACCGAAACAAAAACAAGAAGGTGACTGTCAAAGATT  
GATGTTGGTTTGATCTTAACATGAATTCTTCACCGAGTTCGGTCTCGAGCATTAGATCATGTACATAGCTTCTG  
CATCGGTTCTGTGCATAGATGAAAAGTGGCTATTGCTGGTAAGGAAGGATTAAGGAGTTAGATTACGGTTAC  
CCTTCTATTTTCTTCTTTTAACTTATGGGATTTGATTTATACAAACAACCTGGGTTTGTTCTGTTTCAGCTTTACA  
CACATAATAGTCAATTGTACATCCTGTTGTTAGTGAGAGTGCATATTGATGTTCTGAAGAAGCAGATAATTTA  
TTCTATTTGTTTTAGAGCATGAGCTCTTCTTCTCTCTCGTTTACTTTATGCATTATATGTCACCTGATTTGAACAT  
TTTGAACATCCAATTCTCAAGGGAGGGTAGTAATTTCTTGAAAAGCTGTTATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTTAAACCCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGG  
CCCCAATCCCCCAAAAGGGGGCCAAATACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTAAACCCCGGGGAGGGGA  
AAACCCGGGGGTTACCCAAATTAACCCCTTTGAACAACCTCCCCCTTTTCC

>trans\_c\_354 AL161577|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 73

AAATTAGCAGATGCAAAAAAAAAAACTTTACATCTGCACAAAATTTCCCCATTTTCTTCTTCTTCTTCTC  
TTCTTCTTTTTTTGTTTCTTCTAACAAAAATCCCCATTAAATTTTGTCAATCTTGAAAAATGCCCTCTCTTGAAG  
ACGAACTTTTCCCTCCACGCCCCGAAAGTTCAAGATCGACAGAAACCATCCCATGAACCGTCAATTCCACCGC  
TGTTTCGCCTCCACCAGCACCATGTTCTTATGGGCTCTCTTCTTAATCGCTCTAACCGCTTCTTATTAAGTTTCC  
AATCCTTCGTCGACTCCGGTAGCCGCTATTTCTCCGCTTCTTGGGGTGGCATCCAATGGGAAAAACAAGTCCGT  
GTTTCCGCTCAACCCACCGTACCAACGGCTTCTCGGTCCTCGTCACCGGCGCTGCGGGGTTCTGTTGGGTTAC  
ACGTTTCACTGGCTTTAAAGAAACGCGGTGACGGCGTTGTGGGTCTTGACAATTTCAATCTTATTACGACCCA  
TCGCTGAAAAAGGCACGGAAATCGTCTCTCTCAATCACGGGATTTTCGTCGTTGACGGCGATATTAACGACG  
TTAGATTATTGGATAAACTCTTCGATGTCGTCGTTTTTACTCACGTGATGCATTTAGCCGCACAAGCTGGAGTT  
CGTTACGCTATGGAAAATCCAAATTCCTATGTTCATAGTAATATCGCCGGTTTAGTTACGCTTCTTGAAGCTTGT  
AAATCGGCTAACCCACAACCGGCCGTGGTCTGGGCTTCTTCCAGTTTCGGTTTACGGGCTTAACGAGAAAGTCC  
CCTTTTCCGAATCGGACCGAACCGACCAACCCGCAAGTCTTTACGCGGCTACGAAAAAGCCGGGGAGGAAA  
TTACGCATACGTATAATCATATATATGGGTTGTCGATTACCGGGTTGAGGTTTTTACGGTGTATGGACCTTGG  
GGAAGACCGGATATGGCGTATTTTTCGTTACGAGGAATATATTACAAGGGAAGCCGATTACGGTATTCCGA  
GGGAAGAACCGGTGGATTGCGGAGGGATTTACTTACATTGATGATATTGTGAAAGGGTGTGTTGGGTTCTG  
TTAGATACGTCGGGGAAGAGTACGGGTTCCGGTGGGAAGAAAACCGGACCGGCGCCATATAGAATATTCAAT  
TTGGGGAATACGTCGCCGGTAACAGTGCCGACGTTGGTGAGTATTTTGGAGAGACATTTGAAGGTGAAAGCG  
AAGAAGAATGTGGCGGAAATGCCAGGAAACGGCGACGTTCCGTTTACTCATGCGAATATTAGTTGGGCTCGG  
AGGGAACTCGGGTATAAACCGACCACTGATTTGCAAACCGGGTTGAAGAAATTTGTTAGATGGTATTTATCCT  
ATTATGTCTATAATCACGGAAAACCCGTAAATTAATAAATATATATTTTACTTCCTTTTTTTTTTTTTTGAATTT  
CTCTCTCTCTCTCTAATTAGGAATGAAATGGGGTAA



>trans\_c\_355 NM\_001186043 | Oryza sativa Japonica Group Os02g0499000 (Os02g0499000)  
mRNA, partial cds

AAGTTCAGAGAAGATATGCCATTCTTTTTCTCATCCAACCCCTTCCCTCTCTACAATCAACTCTCTCTCTCTTTCT  
CTCTCTCTCTCTATATCCATTGTTAAGTTCATCACTCCAAACAAAAACAATTTTTTTCAAAACCTGCAATTTTTAT  
AAAGGTGGTAGAGATTGTAGTGATGATGGTGATGCATGTGTTAAGGATTTTTCATATAATCTCTTAATTTTTTT  
TTAAATGTTTACCACCTTCCTTTTTCTTTTCTTATAATCTCAATCCCCTCTTAGTTTTTTTTCTTTTCAATCGTTCCTC  
TACGCCGTCGCCGCTGCCGCTCCTCCTCAGATGTGAGGTGATCCTGGAAAAAAGGCAACAATACCACTGAT  
AACAGGATCAAAGCTAATTATGGTGAGCTTAAGAAGACGAAAACCTCTGGGACTTTACTCTGGCAAAGCGTC  
ATTTGTTGCTCCAGTTTTGAAGTTTTCTGAAAATTTGACTGCTGAAGTTCATGTGCACTGTACGAGCTCCGTTA  
GGGTTTATCCAATCTGTTTCTGATGAAGTTAACAAGATAGAGAATCCAATTGCAAATATAGAGCCTGAATCATC  
AGGGGTATCTGTTTTGGATACATCAAAGAGCAAAATTGACACGACAAACGGTGAGCCAATTGCAGACCCTCCT  
GTAAAGCGCAGAAAGAGACACCGGAGAAAGCATTTCCTGATGAATCTTTCTTAATGAGAGGTGTTTATTTCA  
AGAACATGAAATGGCAGGCTGCTATAAAGGTTGACAAAAAAACAAATACACTTGGGAACTGTAGCATCACAA  
GAAGAGGCTGCTCATTGTATGACAGAACTGCTTTCATGTGTGGAAGGGAACCCAACTTTGAGCTCCAGAAG  
AGGAGAAGCAAGAACTGAGAAAGTTTAATTGGGACGAGTTTCTAGCAATGACTCGCAACACGATTACTAATA  
GAAAACAGAAGAGGCTCAACCCAAAATCAAAGAAATCTGAACCTTTCTTCGCTGGGAATGACGACTCTAACAA  
AAGACAAGACAAGTTCATTGACCTCTCATCTCTAGAAGATGTGGAAGTAGTTGCCTCTACATCCTGAGATTCAA  
GAGAAAAAAAATAGTTCTCCCATCTCTAACATCTCAGTACAAGTATGGAGACCTGCAAATTTGTTTTCTTTT  
CTTTTTCTTTTCTTTTTGGGCTGGGCAAATCAACCTCAATTTTGATGTACATCATTTTAGTAGTTTAGGCAA  
ATCCTTAAGGCTTTGAACCGATTGACGGAGTGATTTACGGTGATATGTGTTGTACAAGACATACTTCAAGTCG  
AAAGAAGGCTCTTTGTCATGATTTACGGTGATAGGTGAGGAAGAAGATTAGCCATCTTACGTCCATATTTAAA  
TGTCTATAGGTCTCCACTTCTATTATTTGAAGGTCTCTTTGTGGTAATATTGACATTTGATTTCAATTAACATAA  
TACTTTTTCGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_356 NM\_001066823 | Oryza sativa Japonica Group Os07g0618600 (Os07g0618600)  
mRNA, complete cds

AGTCGGAGTTCCCAAGTTCCGCTGCCAGTTTCTTCCTCAGCTCGGAACTCGGAGGAGATCACCGCACTCCGCC  
GCGCACGACGGTGTTTCTCTTCGTCAAGATTAAGTAAACCATCAATTAACAATCGGAGGATCGATCGGCG  
GATATCACAAAAATGTCGGTGAGCCGCTCCTTTCCAAGAAGCAGCAGCTGCGATGTCTGCAAAATGCAGTT  
TCAACACCTTCCGGCGACGGCATCATTGCCGATGCTGTGGAAGGACGTTGTGTATGAGCATTCTTCTTTTCAA  
ATGGCCTTGCCGCAGTTTGGTATTCATCTGTTAGAGTTTGTGCTGACTGTTTTAATAACTCCTCTCAATCT  
AAAGTAGTTGGTCAACCGCCATCATTAGCTGTAGTTGATCAAGTAGGAGATACAGTTTCCCAATTAAGCCTTG  
ATGGGGATCTAAATTCTGAGCCTAAACCAGCTGTGGAGCATCAACCTGCATTGGGAATTCCAGATTGCAAGTG  
TGGAATGCCATTATGCATCTGTGAACTCCAGCTCAGCCAATGGAAACAGAAGCAGTACCTTCGAGAAAAAA  
ACAGCTTCTACCTCTACTCAGTACAATCCAAAACCAAAGAAAACCGACTCCAATCTAAGGAATAGAGGATCTA  
CCTCCAACAGCAAGCTTCGGAATCTTGCTGATGAATCGAGGATTAATTATGAAGCAAGTGCGAGGGGCTAA  
GGGAAGCAATCAAGAATGGTGACACGATTGCTGTTAAGAACTTTTGAGCGAGGGTGATAGTGCAAAATTATC  
ACGATAACAAGGACTGTCTTTGCTGCATGTGGCGGCGGTCTTTAATCAGACTGATATTGTTTTGCCCTCATT  
GAAAACGGGGCTAGCCTGGACTACAAAATGCTCAAGGAGAGACACCATTGGATTGTGCTCCGGCTTCTTTG  
CAATATAAGATACGAGAGAAGATGGAAGGACAATGAGCAAATGAGGAGATGACCTCCCATCTTTTTCCAGTA  
AATAATACTTCCATATTCTCTGCACTAGTGGCTTTACTCTCTTTTTATTTATTTATTTTATGACTTTTAA  
GTAATTGTATAAACCATAAATCTTTGATTTAATCTATCCTTTTAGATGGTCTCTGTAGTGAGTGATGTTTTAGAG  
GCTGGTTGGGAGCTTAGTTGAAAAGCTGTATTTACTTTCCAAAACAAAATAGTTAGAGAGATATTTGGATGTC  
TCTTTAGTTTCTAAATTTGTTTTGTGCTTCCTTTGACTTTTTGGGAACCGAGTTGCAAAGTTTGATGTGTGTAA

GTTTGTGATGTATGATTTTATTTTGTGTTTATTTTGTAGTTGGTTAGTCTAGGGTGTTAATGTGGTTGGGTTGAAC  
ATCTTTTGTAGATCCGACCTAATTGTTTGTATGGTAAGTTTCTTCGATCTAAATAACTGTTATTAAATAATGGTTT  
GGTTGGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_357 NM\_001054144|Oryza sativa Japonica Group Os02g0654100 (Os02g0654100)  
mRNA, complete cds

ACCCCCAACTTTTGTAGAAAACGATATCTCTAAGCTTTGTTATAAATCCAAAATGATTTAAAGTTTCATAAAACAA  
AATCTTTTGTATCGAATCCAATTCGCTCACGTTTTTCCATTCCGTCTTCTTCTCCCTTCTTCCCATCTTCTCCGT  
ACAACCAACAAATGGGAGCTTTCAAATTCGATGCAGAAATCTCATCAACCTCCGAATTCAACTCAATCGTTCA  
CCTCAGGACCTTCCGATTCCGGCCAACAACCTCCGTGAGACATTCCCCAGCTCCACCCCTTCCGATGCCTTCAAT  
TCCTTCTCACATCCGTGGCGATACACTCATTGCAGAAATCTCATTTTGGACTCACTTTCTACTAAGCCTGTCCGG  
CTTCACCGACTTTCAGACTCTGATTCTGGAATTGTGAGGTACATTAGACAGGCCTGAGGCGAAAAACGCTA  
TTAGCAAGGATATGCTGAGGGGATTGCGTCATGCCTTGAATCCGTTGATAGTGATCCATCCGTCAATGTTAT  
GATGATCTGCAGCTCTGTCCCAAAGGTGTTCTGTGCAGGAGCCGATTGAAGTGAGGAACGTAAGAAGATG  
ACAGCATCAGAAGTTCACTCCTTGTACCTCACTGCGGTCTGCATTCACATTTTGTAGAGGCCCTTCTATTCT  
ACTATTTCAAGTATTGAAGGAGCAGCATTGGGTGGTGGACTTGAAATGGCTCTTGATGTGATCTTCGGATAT  
GTGGGGAAGATGCCAACTCAGTTTGCCAGAAACCGGACTGGCTATAATTCTGGGGCAGGTGGGACTGCAA  
GGCTTCCTAGGCTGGTTCGGTAAATCAATAGCAAAGGAACTTATTTCACTGGTCGTAAGGTCAGTGGTAGAG  
ATGCTCTATCTATAGGTCTTGTCAATTACTGCGTCCCTGCTGGGGAAGCTTATGCAAAGGCACTGGAAATTGCC  
CAAGAGATAAATCAGAAGGGTCCACTAGCAATAAAGATGGCAAAGAAGGCAATCGACGAGGGGCTCGAGGG  
AGACCTGGAGTCAGCTATGGAAGTAGAAGATGAATGTTACAAAGAACTCTTGACACGAAAGACCGGTTGGA  
AGGATTGGCAGCATTGCGGAGAAGCGAAAGCCAAGGTATAGAGGAGAATAGATTGGTAACCACATTCACTT  
GCTTGTTTCCACAATACAATGTGGTTACCTCTAATCTTCATTTTAACTTGAAAGGCTTCAGAACTGTACCAAT  
TCAGCTTATTTGATCAGTGATGCTATAATAAAGCAGCCTGAATGCTTAGTGTTTGCATCATTGATCTCTGTCC  
TGAAATTTAGAATTGTTCTTTGTTACTTTTGTGTTGCGAGTTGGATAATTAGGGGTGTAATAATGGTTAGGGTT  
GTCATTAAACCAACAACCTGATTGAGTTGTGAATGATGTGAATGTAACCTTTTATTTATCAAGTAACTGTGGTA  
TTACTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_358 AF386991|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F7H2.8) mRNA, complete cds

GGTTCATGACATAACAGATGAATGTTTGGTTCACCTGAAAGGTGTGTTCACTGCCTGAAATTCTATTTGAATC  
CATTTTAATGCCTCATTTTGTATTTCTTAATGTCAATGAAGCTATCTGCCCATCAGCCCTGTTACTGGTATTCAA  
TAGACATTGTTTGAAATTAGGGTTTTCAAGCTCAATAAATTTACAACGTTATAATGCCAAGTCCATAAAGCTTA  
TACGGTACTTACCAATAAACAATATTGCACAATAATCTCCTGAAATGATTTTTTTTTTGAAGCTGTCTTTACAAG  
TGTAATTAACACACACATATATATTTAATTTATGCAACAAAGCAGGTCTAACAATTTGGAGAGCTTGAACCT  
GGATTCATGCAGGATTGAGGATGATGGCCTTGTTAACTTGAAAGCTCTCACCGTTTGAAATGTTTGGAGTTG  
TCTGATACTGATGTTGGAAGCAATGGTCTACGTCATCTATCTGGTTTGTTAATCTGGAGAAATTGAATCTCTC  
ATTACCGTAGTTACTGACATTGGCTTAAAAAGCTGTCTGGGCTCTCATCTCTTAAATCACTTAATTTGGATAC  
TCGCCAAATTACAGACATCGGACTTGCTTCCCTTACTGGTTTAGTAGGATTGACTCATCTTGATCTTTTCGGAGC  
TCGTATTACAGACTCCGGAACAACTATCTGCGAACTTCAAGAACCTACAGTCCCTGGAAATATGTGGTGGA  
GGATTGACTGATGCTGGTGTGAAGAACATTAAGACCTGTCTTCTTGATGGTGCTCAATCTATCAGAAAATG  
GCAATCTGACTGATAAATCCTTGGAATAATTTCTGGTTAACAGGGTTGGTCTCTTTGAACATTTCAAATTCG  
AGAATCACTTCTGCGGGACTACGACACCTGAAAACCTCTGAAGAATCTAAAGCAGTTGACACTGGAGGCATGT  
GGGGTTTCAGCAAGTGACATAAAAAAGCTTCAATCTACCGACCTCCCGAATCTGGTGAGCTTCCGCCCTGAGT  
AGCCGTGAAGAAGAAGATGCCCTGTGATTCAACCTGCCACAAAGGCAGAGTTGTAAATAATGATATCCAGGC

AACAAGTTCTTATCAAATTGTACATAGTTTTGGATTTGTTTTAGGCCATGAGCTTCAAAGACCAAGTGTTTTTA  
GTGGTTTTCTTTCTTTTCAGTCTAGTTTATTGGAAAAAAATTGGGTAAGAAATGGTAGAACCTTGCAAGCCAT  
GGCAAAAAGAAGTGGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAACTTCTGTAAATACATCTTCCTTCTCTGC  
TAAGGCAGTGGAGAATGTGAATAATGCAGTTTTTATTATTAAGTTATTTGGTTAATATGTTTCGTTTCATGTAAAA  
AACTGGAAATGGATACTTTTCCACTTTATGAACTACCCATCTTGTTATAATTTATTGTCAGATGATTTGGATTTG  
TACAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_359 NM\_120969|Arabidopsis thaliana anac082 (Arabidopsis NAC domain containing  
protein 82); transcription factor (anac082) mRNA, complete cds

AGGCTTGATGATAAGAATCTGTCTTTAGAAGATGTTGCTCAGGATGCATATGTTCTCTGTGTTATATTCCAAAA  
AGATGGTCCAGGCCCAAGGAATGGCGCCCAATATGGAGCACCATTTAAGGAAGAAGATTGGGAGGAGGATG  
GTCTAGAGGAGGTTGATTCTTTAGAAGTCGATCTTCCCTCTGGCTTGCCGGTGCTTCCTAATAAAGAGCCACTG  
AATTCATTTGCTCCAGACAGCTCTCTGACACAGACTAACGTTTTTGGTTGTTTCATCAGCATCGTGTATCTCTGAA  
AATGTCGCATCTAATTCAAAGGAGATTCCCCGATTGCATCTGGGAATATTGCTTCAGTAGAGATACCTGGGA  
ACTGCAATATCCCTGATGATATATTTACCATTGAAGATTTTTTCTGAACATGGAAATGTGAATTTGGTGGAT  
GCCAATGCATTTCAGGCTCCTGTTGGCGCTCCAATACATACAGATCAAGTTGATACAATATTTAAAGATTTAGA  
AGATCTAGGTGGTTTGTCTCCATTGAAGGGAGATGAGAATGCTTATGAACTGGCCATGAAGTATACAGTTCA  
GAACCAACATTTTCATTTAACAACAAAAACAATGTCTTGTTTGGACCACAGAGAATATTTGGAGATGAATGACCT  
CAACGTTCCGTTGAGTTCTACTTACCGAGACAGGCAAAAGGTTAATGCTCCATACAGCGGTTCAAGCATCATT  
GAACAGCCATGTTTCCCATATAGTTCTTTTGGAGCTGCTGCCAATCAGAATGTTCTTCATGTCAGTATCCTTCT  
CTGTACCATTCCAATGATCAAATATGTCATCCCGCTGATCTTGATACCCTGATGCACACGTCTGCTTCCATCCAA  
TCTGCCTGGGTGCAGGAAAATTTTCATCCCAATGCAAATGCGGGATGCAATGGCTATAAAGCTCCCTGGTTGG  
ATCATGATGCAAACCTTCATAAGGTATTCATAATGCCTTTGAAGAGGGCTTTGGTTTTATCAATTCAAAGCC  
ATTTGCACTGATGCAATGATAATCTGATTTGAGAATGAATGTGCAATGCAACCTACCGTACAATATCATGATG  
CATGTTTCTGGATAATTAAGAAGAACCTTGACGCGGCTCCCTGTTATCTTTTAGCTTTAATTGTTGGTGTAGT  
AGCTTAAAGATATCATCCATGGCAAAGAATTTTCGCAGGGGGTCTATTTGGCAGTTTGTGAATAAATTTTATTG  
TGCTGAGAGATGAGTAGGTTAGAATCTCTCTCACGTATGCTGGATCCTTTATCTAATGAATAGACTTTAAAATA  
ATAGAGATTGTAATGGCAATCTCTTATTTGGAAAACATGATATTAGACTTTGTTCTACAGGGTAAGTATAAGTT  
TGGTACTTCTTTTCAATGGATCTTGCTCGAAAGGGATGGCTGGTAAGTGTTTTGGACAAAGCTTCATCTGGG  
AGTTTTTAATATCATTGTTATTATTTGATTT

>trans\_c\_360 NM\_001049336|Oryza sativa Japonica Group Os01g0295700 (Os01g0295700)  
mRNA, complete cds

AGAGAAGATAAATTCCAATTCCAATTCCAATTCAAATTCAAATTCGAAGTTGCCATCTTGTTGGTTGGTTATAA  
CGAGTTCGATCTCTCTGTGCAAGAATCTGATTCTTTGGTAAATGTAAAAATGGTGGCTGAAGCTGAGGTTGTT  
GTTTGTTTGAAGAGCCTCCCGTTTTGGAGGTCCCGTATTTTGGTAAAGAGACTTGCTTGTGTTGATGAGATTGA  
GTCCATCGATGGTGGGATTTTCGATTGATCCGACTCTTGATCGTGTTCTGCTTCCGAGTCGGTTTGTTCAGTT  
CTCAATCGGATAAACCCATGAAGAAAATTCCAGACTCCGAGGTCGATACGGCCAACGGAAGGGAATTTCCGA  
GCCTCCGGTCCGGGAGTTTTGCTGATATTGGACCTAGGAGATACATGGAAGATGAACATATAAGGATAGATG  
ATTTATCTTCACACTTAGGATCGCTCTTTAAGTTTCCCAAGCCAAGTGCTTTCTATGGGGTATTCGATGGACATG  
GAGGTCCTTGAGCTGCAGCTTATATCAGAAAGAATGTTCTTAGACTCTTTTTCGAGGATGTTAGTTTCCCTCAA  
ATTCAGACATCGATGAAATCTTGCCGGAGGAGATTGAACTTGCTCCGAAAAGCATTCTTCTTGCTGATCG  
AGCTCTTGCTGATGATTCCAGTGTCAGTAGCTCGTCCGGGACGACGGCCCTGACAGCTCTTGTTCTTGGAAGG  
CTTTAATGGTGGCAAATGCTGGAGACTGCCGAGCAGTTCTCAGCCGAATGGAGAGGCAGTAGATATGTCT

CAAGACCACCGGCCGATTTATTCTCTGGAGAAGCAACGAGTAGAAGAGTTGGGTGGCTATGTTGATGGTGGC  
TATCTCAATGGCGTTTTATCGGTTTCTAGGGCCTTGGGGGATTGGGACATGAAGCTCCCAGATGGTACACCTT  
CTCCTCTCATTGCAGAACCAGAATGCAGACAGATGGTTCTTACAGAAGAGGATGAGTTCTTGATCATAGCCTG  
TGACGGGATATGGGACGTGATGTCAAGCCAGCAAGCAGTCAATGTAGTTCGACAGGGACTTCAACGCCACGA  
CGACCTGAGCGCTGTGCAAGAGACCTTGTCTGCAGGCTTTCGATTAGACTCGTTTGATAACCTAACTGTT  
GTTGTTGTTTGCTTCTCCAGTTTCCATCCCGGCAATTCTCCACTACCACAGCAGCGGAAGTTACGATACTGCAG  
CCTCTCAGCACAGGCTCTTTGTAGCTTGCAAAAATGGTTGGATAACAGTGGATGTCAATGAGTGTAATTGCTTT  
CCTGTAAACCTCTCATTTGTAACAACAGATTGAAGAGTTCAGTAACTGCAATCTCATTTATTGTGATGTAAAT  
AATTTTCCGTGATACCATCAACTGTTCTTCAGGTTGCAGATTATGTATGAACACATATCAATAAATCAGCTGGA  
CTCGGCATATTTTTGTAAAGTAAATGAGATTCTTTAGTAAAA

>trans\_c\_361 XM\_002874549|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family  
protein, mRNA

AACTCGACACGACCCTTTTCTTTCTTTTTGTTTCCTTCTCTCTTATTCAACAACCTCTCCCTTTCTTCTTGCT  
TTTCCTTCTTTTACCCACTCTCTCTAACTAACTCTTGACCAAAAAAATCTCATGCTGAATCAAATCCCCCTCA  
AGGGGGTGGACAAAACCCCAATTTCTCTCCTTAGACTTCCTTTTTTTTTTTTCAAATCTTCCTAATTTCTTT  
GGCTTTGAGTTCAAAACTTTGTGGGTTTCGTTTGAATTAGGTTCTGAATAATGGGTAAATAGCCTAATTTGTA  
AGTCAAAGAAGGATGTCAAAGAGATTGGATCTCGAAGCAAGAGAATGGGTCCGTCAGAGGAAGTTGCAA  
AGTGAGGAAGAGTATTTGCAGAAGCAAGCTCTCTCATTGGCTCTTCAACAGCTTCAATTATCTCAGAGGTTTG  
ATGGATCCACTTCCAAAAGAATTGGCTCGACAAGCTCTCGAAGACGCAATCTCTCCGATCCATTTCTAATGGG  
AAGCAGGGGAAGAAAGATTCAAAGTTATGTGGAGCAGATGTGGCTTCTGGTGAAGCAAATGTGCAGGCACC  
TGAATTTCTGGAATCTGAAAGAAAAAAGTTCGTTTTAGTTCATGGTGAAGGATTTGGAGCTTGGTGCTGG  
TACAAAATATTTCTCTACTAGAGGAAGTCGGATTATCTCCCATAGCCATTGATCTCAAAGGTTTCTGGTATTG  
ATCTAACAGATACAAACAGGGTGAATACTCTAGCAGAGTATTCAAAGCCATTGACTGATTATCTACAAGATCTT  
CCTGATGATGAAAAGGTTGTTCTAGTTGGCCACAGTAGTGGAGGCGCTTGTCTTTCTTATGCATTGGAACATTT  
CTCAAATAAATATCGAAAGCAATTTACGTCTGTGCAACGATGGTGGCTACTGGCCAGAGACCTTTTGATGTA  
TTCATGGAAGAGCTTGGATCTGAAGAGATTTTATGAAAGATTCGAAGTTTTTGATCTATGGGAATGGAAAAG  
ATAAACCGCTACAGGATTCATGTTTGAGAAAGAGCAAATCAAAGGGTTGTATTTCAATCAATCTCCTACCAA  
GGATGTTGCCTTGGCAATGGTTTCAATGAGACCCTTCCATTGGGTCCAGTCATGGAGAACTCTCACTATCCC  
CTGAAAATATGGAACGGGGCGCCGATTTTTCTGTCAAACGCTCGATGATCACGCACTCTCACCTGATGTTCAA  
GAAAAGTTGGTGAGGGTAAATCCACCTGAAAGAGTTTTCAAGATAAAAGGCAGTGATCATTGCCCTTTTCT  
CTAAGCCACAATCACTACACAAGATTCTCCTGGAAATTGCTCAAATACCATAATCTAGGCTCACTCTCCATCTGT  
CTCATAGAAAGAACAAAAAGAAGAATATTTTTCTTCATTTCAATTTCTAAGTTATTTATTTATAGCAAAACCCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_362 XM\_002886176|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata dihydrofolate reductase-  
thymidylate synthase, mRNA

ATCTTTTCTGTGGTTGAAAATAACTTGCGATATTCGTTTAATAGTTATGTTTCGTGTGAGGAGCTCAGCCGAAC  
TTCCTATTGATCAGAACAAATGGTTTGGTCTCTCATAACAAGCCTGACTTTTCTAACATTGAAGCTAAGAAGTTT  
CTTTCCTACCTAAGGAGATTTTCGAGAGGCATGAGGAGTACTTGTACCTAAAATTTGTTCAAGAAATCATCTCA  
GATGGTATTCTTAAGGATGATAGAACAGGAACAGGTACTTGTCAAATTTGGTTGCCAGATGCGGTACATTT  
GCGCAAGACTTTTCCACTGCTTACAATAAGAAAGTATTCTGGCGAGGGGTGGTTGAAGAACTCTTTGGTTC  
ATTAGTGGTTCAACCAATGCAAAGGTTCTTCAGGAGAAAGGCATTCATATATGGGATGGCAACGCATCCAGA  
GATTACCTCGATAGTATCGGTTTAAGAGAAAGGGAGGAAGGTGACTTGGGACCTGTATATGGGTTCCAGTGG

CGACACTTTGGTGCTAGGTATACGGACATGCATGCTGACTATACTGGTCAAGGATTTGATCAGTTGCTAGATG  
TTATTAACAAGATAAAAAATAATCCTGATGACCGGAGGATCATTCTTTCTGCATGGAATCCATCTGATCTCAA  
CTGATGGCACTTCCTCCTTGCCACATGTTCTCTCAGTTTTACGTTGCAAATGGGGAGTTATCATGTCAAATGTAT  
CAGCGTTCTGCTGACATGGGCCTTGGTGTTCCATTTAATATTGCGTCATATGCTCTTCTGACTTGATGATCGCT  
CATGTTTGTGGGCTTGCTCGAGGTGACTTCATACATGTGATTGGAGATGCTCATGTTTACCGTACTCATGTGAG  
GCCATTGCAGGAACAACCTTCAGAACTTCCCAAACCTTCCCTATTTTGAAGATAAATCCCGAGAAGAAGGAT  
ATTGATTCTTTTGTGGCAGATGATTTTGAACAACTGGTTATGACCCTCATGTGAAGATAGCAATGAAAATGGC  
AGTATAGAACCTTGATCTAACTGTCCAGCAAACAAAGGAACTCAGTTCCTTTTATCACAATCTCCAAATTTGA  
GGTACAAGCATCAGAGCCTAATTTGGTTGATAGGGTCTGCAAATAAAAAGTGCTAATTGGATATACTTTATAC  
TTTATCATGTGTAGTGAGAATCCTTTAGTCCCTATGGGTGGGTCTAAAGTGATTGAGTTCGGTTTTGTATTTGCT  
ATAGCTTTCTCTCATTGGAAAATGGAATGGTTTCACACACTTGAATGCACGGTCATGACTATTACAATACCGTG  
CTACATACAAATATAATGTAAGCTCGACCGATCATTCTCGAACTTCATCTGGTTTTGAAAGGATGGTGAATTTG  
ATAGACTGTGTTGTGACTTGTGCTTCTCTTTTCTAGTTCTCGCTACCTTAAAAAAATTTGTCCATTATCTCATG  
TTAGAAAAACAATGGAGTTGGGAGATCTT

>trans\_c\_363 NM\_115982|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT3G61180) mRNA, complete cds

TTCTCATCCTTCTAGGGATTCCACCTGATTCTTCTTCCCTCCCTTCTTTCTGATCTGTCATACCCCGAATTTCAGC  
TTGATTCTTCACGATAACTTCAATTTGATTGTTTTGCATAACCCCTTTTGTCTTTTCTCAATGAATCAATCCG  
TTTGAGTTTTTCTGATTGCGTAACCTAATTTTTCGGATTGAGAGTTCTTAAGGTTTTTCCGAGTTCCCTTCAAAC  
TTCCAGACTAGAGATCCACAGTAATCGAATCGCCAGAATGCGTGATTCAATCCACACCTTCTACTCCCTTC  
AGGGCGGTGGATAATTCGCCTCTGCTTGGCCACTCCGTACCAATGGCCTTTTCCGTTACAGAGGGTTTATTCG  
TCGTTGCGCTCAGCCTCTTCGTGGCGCTGTTGCTTCTCCGCCGTGCAAGTGGCCGCCAGATGATGCTCCGAG  
AGCCCTCTGTTGCTGTCCGTGAGACCGCCGCCGAGCAGCTCGAGGAGCGGCAGAGCGATTGGGCGTATTCCA  
AGCCCATTATTCTCTTGGACCTTCTATGGAATTTGGCTTCGTCATCATTAGTTTCACTGTCCTAGGGCTTAGCA  
CGAGAGAAAACCTTCAGTGCCTCTTAGGTTTTGGATCATCGGATATGCTTTACAGTGTATAATTCACATGTCC  
CGTGTTGCTGTTGAGTATAAGCGTCGGCGCTCTACGAGGGAACCCGCTGGATTGGACCGTAACAGTGGCTGG  
ACGAGCGGCGAGGATTCAAATTCGGTTTTCTGGAAGTGATGGAGATGATTATGCGACCGAGCAGACCGGGAA  
TGAAGATGAATCTAGCAATCTTGTGAAGCATATTGAGTCTGCAAATACAATGTTCTCTTTTCTCTGTTGGCTGT  
TGGGCTTTTATTGGGTAACCTGCGGGAGGCCAAGAATTGATAGAGGGTTCACCTCAGCTATACTGGCTCTCTAT  
TACGTTCTTGCATTTGACGTCGTGTTTGTCTAATTTGCGTTGCAATTGCATGTCTTGTGTTGGTGTGCTATTTG  
CTGCTGTCTGCCTTGCATCATTGCCGTCTTGTATGCAGTAACCGATCAGGAAGGAGCTACAAAGGAAGAGATC  
GAACGCTTACCAAAGTACAAATTTAACAGAACGGGTGATGTTGAGAAAGTGAATGGTCATATTCAAGAATCTA  
GCGGAGGAATAATGACTAATGTGATACTGAGGCACCTACGGAGCGCTTTCTTCGCCCCGAAGATTCTGAGTG  
TTGGATCTGCCTCTCTGCTTACGAGAACGGAGCGGAGCTACGAGAACTTCCCTGTAACCACCATTTTCACTGCA  
ACTGCATCGACAAATGGCTCCACATGAATGCCACCTGCCACTCTGCAAATTCACATCTTGAAGCCGAACAGT  
TCCAGTAGCGAAGAAGTGTGAACGAAATGTACGAGCGATGAAACATAGACAGAGAATACAGAACTCACCACA  
AAAAACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_364 AB066298|Brassica napus gdh2 mRNA for glutamate dehydrogenase, complete cds

GAGTCGTCTCAGATTTCACAAAAATCGCAGCCTATAAAATTCCTTTTCTCTCCATAACCACAAATCCA  
TCCCTTTGAATTTTCCCATCAATCTCTCTTCTTCTTCTCAGATTTCCCTACTACTACTACTCTCTCTACCCAT  
GAATGCTCTTCAAGCTACCAACAGAAATTTCCGCCATGCTGCTCGGATTCTCGGCTTAGACTCCAAACTCGAGA  
AGAGTCTTCTCATTCCCTTCCGTGAGATCAAGGTTGAGTGTACGATTCCCAAGACGATGGAAGCTTGGTGTC

TTACGTTGGGTTTCAGAGTACAACATGACAATGCTCGTGGCCCTATGAAAGGAGGGATCAGATACCATCCTGA  
GGTTGATCCTGATGAAGTTAATGCTTTGGCTCAATTAATGACCTGGAAAAGTCTGTTGCTGATATCCCATATG  
GTGGTGCAAAGGGTGGCATTGGCTGCAACCCAAGGGAGTTAAGCAATAGCGAGCTCGAGCGTTTGACTCGTG  
TCTTTACACAAAAGATTCATGATCTCATTGGAATTCATACTGATGTACCACTCCAGATATGGGCACAAATGCA  
CAGACTATGGCATGGATTTTGGATGAATACTCAAATTTACGGTCACTCCCCGGCCGTTGTCACCGGGAAGC  
CCATAGATTTGGGTGGATCACTTGGTAGAGAAGCTGCAACCGGGCGTGGTGTGTTTTCGCAACAGAGGCAT  
TACTTTCCGAGCATGGAAAACAGATCAAGAACATGACATTTGCAATTCAGGGGTTTGGAAATGTGGGATATTG  
GGCATCAAACTTAATCATGAGAAAGGGTGGAAAGGTTGTTGCTGGAAGTGATATCACAGGCGCTGTAACAA  
ATCCAAATGGTATCGACATTCCAGAACTTTACAAGCATAAAGAAAGTACTGGAAGCCTAGTGAACCTTTCAAGG  
TGCGGACGGTATGGATGCAATGAGCTACTTGTACACGATTGCGATGTCCTTATCCCTGTGCCTTAGGTGGA  
GTCCTAAACAGGGAAAATGCTGGTTCAGTGAAAGCCAAGTTCATAGTTGAGGCAGCAAATCACCCACAGAT  
CCCGAGGCAGATGAGATCCTATCTAAGAAGGGAGTCGTAATTCTACCCGATATATATGCGAACTCCGGTGG  
GTCACCGTAAGCTACTTCGAGTGGGTTCAGAACATTCAAGGTTTCATGTGGGATGAAGACAAAGTAAGCAAT  
GAACTTCAAAGGTACATGACTAGAGCATTTTATAACATAAAGAACATGTGCAAGACCCATGATTGCAACCTGC  
GGATGGGCGCTTTACGTTGGGTGTAAACCGTGTGCGACGTGCCACACTTCTTAGAGGTTGGGACCTTAATTT  
ATAGATTGATGATTTCCATATGCTGGAGAATCTTATTTGTACCCATGGAAGAAAAGCATTCAAGATGGGATTTT  
AACTTTTATTTGGCATTGTTCTATTGATTTTCTTCCACTT

>trans\_c\_365 U70536|Glycine max 14-3-3 related protein SGF14D mRNA, complete cds

TTTCGAGCCAGAACCACCAAAACGAAAAAACCACACACTGTATAGCAAACCCTAATTCTTTGGTCTCAGATCGC  
CCATGGCTTCCACTAAAGAACGCGACAACCTTCGTTTACATCGCTAAGCTCGCCGAGCAGGCCGAGCGTTATGA  
TGAAATGGTGGATGCAATGAAGAATGTTGCAAAGCTGGATGTGCAATTGACAGTAGAAGAAAGAACTTACT  
TTCTGTTGGATACAAGAATGTGGTTGGTGACGGAGAGCCTCGTGGAGGATATTATCATCAATAGAGCAGAA  
AGAAGAAGCTAAAGGAAATGAAGCAAATGCTAAACGCATCAAAGAATACAGACAAAAGGTTGAATCGGAGC  
TCTCTGGTATTTGCAATGATATCATGATGGTGATTGACGAGCACCTGATTCCATCGGCTTCAGCTGGGGAATC  
AACAGTATTCTACTATAAGATGAAAGGAGATTATTATCGTTACCTTGCAATTTAAATCTGGTAATGAGAAG  
AAAGATGCAGCTGATCAATCGATGAAAGCATATGAGGCTGCAACCAGCTCAGCCGAATCCGAGTTACCCCTA  
CACATCCTATCCGCTTGGGGTTGGCATTAAATTTCTCTGTCTTCTATTACGAAATTTTGAATTCACCTGGAAGG  
CCTGTGACCTTGCAAAGCAAGCTTTTGATGAAGCCATTTCTGAACTTGACACCCTGAATGAAGAGTCATACAA  
AGATAGCACCTTGATCATGCAGCTTCTTAGGGACAACCTTACATTATGGACTTCTGACATCACAGAAGATGGA  
GATGATGCCCAAAAGATCAATGGAAGTCCCAAGGCTCCCGGTGGTGACGATGCCGAGTGAAAGTGGAAGGC  
ATCTTAAGTGGCACAATCTTGACTCTGGAGATGATGGATGCGACTCGGATAAATCGCCCTTAGTGTTAGCAT  
AAGGAGGGTTTCAATTTATTATCTTCCCTTTGTTCTTCTTCCATTTTCTGATGCCCCATTATTGTGTGGTTTATT  
TTTGAGTATGATGTCTGAACTTGTTTGGTCTCTAATCTTTGCATTCCACAAAGCTAGCTTTCCCTTCTCAGTGG  
ATGGTCAATAGGTTGTAGGGGGAACTACTTGAATTGTCAAATGTGTTTTTTATCCATCCTGTTTAGATGAAA  
AAATGCCATTGCCAGATGGAGGGTTTCTATTGAAGCATTACTATATATACAATGTTTTATGGTCAACTCTTAT  
AAATATTTCTTTAGTACACTCGGCAATTTTCTTCGGTTTTTCATCAAAATCAGGTGAGTATTCGGCACTGGTAGA  
CTATAAAAAAAGTATGCATAACATTTTCATGCCATTAGAACCATATTGACTAGTGAGTTGTCTCATCTTTATGCA  
AAAAGGCCACTCCAGGTTGACGTTGGAGCAATCGAGCTGTTGTCTCTACTAATAAATGCGAATTTGAGTACA  
GGAAATTAGGAGAAGACTAGTAGATGGAGGAATG

>trans\_c\_366 BT003333|Arabidopsis thaliana expressed protein (At3g03570) mRNA, complete cds

TATATTGGGGATTGAATATCAAATCATAATGGGTAGATGTATATTTTCGTCTTTGACTAGTTGAGCTAGTCTTT  
TTGTACCTTTCTCCCCACATCTATAACTTGCAATTTCTTCTTGTATATTGTTGATAATATATGCTAGGGATAAGTT

TTTATGCAGGATAGGATTGAGACCACCAAAGATAGTCAAATGATATCTTTGTTCAATTAATAGATGGTCTTGCT  
TCAAGAGACAAAGTGCCTTCGTTTTAGAGATGGTCAAACCTACCATATAAGTTAGCTAACTTCAACACTGTTTCT  
AACACACCTGCAAGAATGTGGTGGCAACTAATAATTAATTAAGTGAAGAATTACGTGATTAGGTCTCTA  
ACTTCATTTTTTTTTCTTTAGTTTATCTTTCCATTTAATACTATTGTACTACATTTTATACATCCACTGTAATTGGA  
AATGAATTGCTTACTTTGGTGGCTTATAATTCATTAACCGGTTAAGGTGCATAAATCCTATTCACTTAAATTTTG  
TTTACAGGAAGGCTGTTTCTTTGAGTTTTACTGTGAATCTGAATACATGTTTAGTTAAAGGATTGCAAGCTTTTC  
CGTCCGTATAAAACCTCAACTTCCAAATTAATTTCTCTAATTGGTGAAGAGTAGTTTTCTTCTTATAGTTTATAG  
TCCTCTTCAGGATTAAGCTGCATATATCCAAGCGATTTGGTTCCATTTACTAGAAGACCATTCTTTTAGTTATT  
GATGGTGATGGCAGCGAAGCATTGAGACTATTCATGGAGCAGAAAAGGGAGAGCCAGCTGCAATGCTGTT  
ATCTCCCTCTGCTACTAGTCATGCTGTTGCTACCGATTATCCCGTCATGGAAGCCTTTTCACCTCTTTCTCACC  
GCCCCTCTGCATGCTTTCTGTCTATTGCTCGGTATCTCAGGTTCTGATGTTGAAATGGATACATTTAGTAAAGCT  
GAGAACGTGCTATCCTCGTCATTAAGTGAGTGGGGGCAGTTATTGGTGACATCAGAGAGCCTTGACCAAGTTT  
GGGCACAGATTTTGAATGATCCATTCATAAGGAGACTTCTCTTGAGATTTATATTCTGTCGTTCTGTGTTAACA  
CTCTACGTGCCAACCTTGGGTAAAGAAGGAATATGTTCCGAGGTGTGTGCCATCTCTGCCCTCCGTCGTCGATCC  
GACAACAGCAACATTGCAATCTGTAGTCATGAAGATAGCTAATATCCTTGGTGTAAGCCGCAGTTTCGTCTTCT  
CAGAAAACCTGCTACTTTCTGAAAATAACAATGAAATGTGTTCTAAAAGAACTAGCAAATCTGTATTACTTC  
TTGCTATTTTTGGTGTGTGCTTTTTGTGTAAATGGATTTGGAATATCTTTGGCTGTGATTGAACTGCAGAGAAT  
GCTAAGTGGTTTTGAATGTTTCTTAAATATGACCTAAATGCATCATTTCGATCATTGGTGGTGATACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_367 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

ACTTAGACATCTTGATGCAATCATATCACATCTGAACTGGGTGTGTATTTTTAGGCTTTCACAGTTTTGGTTT  
GTATATTCATAACGATACCATGAGTGCTTTAGGGCGTCCCAAGATATGTTTTAGATACCGCTATACAATTAC  
AACCCGTCTTTGCTCAATGGATACAAAACACCATACTTTAGCACCTAGTATAACGGCCCCCGGTGCAACAACA  
GGCACCAGTTTGACTTGGGGGGGTGGTGATTTAGTGGCAGTGGGCGGCAAAGTTGCTTTGTTACCTATTCCGT  
TAGGAACCGCAGATTTTTTGGTACACCATATTCATGCATTTACGATTCATGTAACGGTATTGATACTCCTGAAA  
GGTGTCTATTTTTCTCGTAGCTCGCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTCCCTTGATGGA  
CCCGGAAGAGGGGGTACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTAGGGCTATTTGGATGTACAATT  
CCATTTCCGGTAGTAATATTCCATTTAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTGTAAGTGATCAAGG  
GGTAGTAACCTCATATTACGGGAGCTTCATTTGAATGCATGGTTCTATTACTATTAATGGGTGGCTTCGCGATTT  
CTTATGGGCACAGGCATCCAGGTAATTCAGTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGCCTGTTTTCTAGG  
TGCTCATTTTGTATGGGCTTTTAGTTAATGTTTCTATTACGCGGGCGTGTTATTGGCAAGAACTATTGAATC  
CATCGTTTGGGCTCATAATAAATTAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTGTCCAAGGAC  
GTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTAGCAAGAATTATT  
GCAGTCGGATAATGGCTAGGAGGATTTGAAAGGCATTATGGCACTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTT  
AGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGTGCAGTCCTAGGGATCATGATGATA  
TACTGAAGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCATTTCCGGCAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTT  
CCGGAAATCTTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACATGTAAGACC  
TATTGCTCATGCACGGGTGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTTTACTCGAGGTGGTGCTCTTG  
GCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTATCAGTGGTGGTATACAATCGGTTTACGCACTAATGGGGATCTT  
TATACTGGAGCTTTTTCTATTATTTCTTCTGCGATATCTTTAATAGCGGGTTGGTTACATCTACAACCGAAT  
ACCTAACCCGATAATTCCCGGT

>trans\_c\_368 DQ119290|Capsicum annuum GDSL-lipase 1 mRNA, partial cds

TTCACAAGTTTAACAAAAGCTATCGATCCACTTTATAACTGAGATCTTCCAATTTTGTCTTTGAATTATGGG  
TATGGCCGCCGGCTGGGGTGCTTCAAACATAACGTCGTCTATGCCCTTTGTTTCTTGCTCTGCTTCTGTCA  
CCGCTTTCTCTTCTTCCAATGCTCAGCAACAACCCCAAGTTCCTTGCTATTTCATTTTGGTGACTCTTTAGG  
TGACAATGGTAACAACAATCGTCTTTCTTCTTTGGCTCGTGCTGATTACCTCCCTTACGGTATCGACTTTCCTCG  
GGGCCAGCTGGAAGATTCTCCAACGGCAAAACCACGTTGATGTCATTGCGGAGTTGTTGGGGTTTAATGG  
CTACATCCCTCCTTATTCCAACACGAGATGGCGAGACATACTCGAGGTGTGAACTACGCGTCTGCAGCAACA  
GGAATCAGAGAAGAACTGGCCAACAATTGGGAGGGAGAATTAGCTTCAGTGGGCAAGTAAGAAATCACCA  
AAACATAGTTAGACAAATCGTAAATATTCTTGGTGATCAAATGCAGCTGCTGATTACTTGAACAAGTGTATAT  
ATTCTGTTGGATTGGGTAGCAACGACTACCTTAACAATACTTTTCATGCCTCTAATCTATTCGTCAGTCGTCAAT  
ACTCGCTGATCAATACGCTCAAAATCTCATTCAACAATACACACAGCAATTATCGATACTGTACGACAATGGA  
GCAAGGAAGTTTGCCTGTTTGGAGTGGGCCAAATTGGGTGCAGCCCAAATGCATTGGCAAGTAGCCAGAT  
GGGAGAAGTTGTAATCAAAGATACAACCTTTGCAAACCAAATGTTCAACAACAGATTGAAAAGCCTTGTGGATC  
AACTCAACAGAGATCAGCCTGATGCTAGATTCATTTACATCGACTCTTATGGCATTTCCTCAAGATATCATTAA  
AGCCCTTCATCTTTTGGTTTTAGAGTCACAAATGCTGGATGCTGTGGGATTGGGAGGAACAATGGCCAAATAA  
CATGTTTGCCTTTTCAAACCTCTGCTCCAACAGAAGAGAGTATCTCTTTGGGATGCCTTCCATCCAACAG  
GCTGGAAACACCATTGTTGGAAGAAGAGCCTACAGCGCTCAACGTCCCTCCGATGCCTACCCGATCGACATTC  
GTCGCTCGCTCAACCCTAGGCGTAAATCCAACCTTATAGGAAGTTATATATAAGTTTGTGGAAGAGTTTAAAT  
TAATTTCCCTTAATTGCTTATGTTTAATTTGATGATATGTGCCATTCTTGAGAAAAGAACATGTGGATGTGTGC  
TACTCAATTTATGGCTTGTGTTTGTATTTAGGTGTTTGAATTTATCTATATCTTTCATGATATGTCCCCAGGA  
AAATCAATTAATGAGAAATGAATTATGTTATATATAAATATTATCTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_369 NM\_124996|Arabidopsis thaliana KH domain-containing protein (AT5G56140)  
mRNA, complete cds

AAATAAATATAGATAGAAAGTTAAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGGACAGCAGTTGTACTGTGCA  
TTATTTTCCACCGACGCCAGATTGATTCAGCGTCTGGTCGGTATCGCCATCGCCGCCGTCATCCACTTCTAATC  
CTGGCCGATCCATATCCACTCACGTCTCCGGAGGGAGAGAAATGACGTCTGCTGCAGCCGGGATGTACATG  
GCTTTCTCTCCCTCTCCTTCCGCTCCTCACTCTCCTCATCTTCTGGTCTTCGCTCTCCCTCCTCTGCATCTGCTGC  
TGCTATACTCGAGCAAGAAAAGTATCTCTCTGAGTTATTGGCAGAGCGACAGAACTTAGTCCGTTTATGCCT  
GTGCTCCCTAATAGTTATCGCTTGCTGAACCAAGAAATATTGCGTGTAACCACTCTATTGGGGAAGGCATCAG  
TTTTAGGTCAAAGTGCGCTGAACATGCCAGCCCCCTGGCTTCTGGAGGAATATTTCAAATGGAGGTGCTGA  
CATGAGTGCATGGCCATCACGTTTTCAATCAGAAATGTCAGGTTTATTACAAGCATCATCAGCACAAAATTGG  
CTAAGTTCCCAAGGTAGTTCATCAGGTCTTATTGTGAAGAGAACCATCAGAGTAGACGTTCTGTTGACAACTT  
TCCTAATTATAACTTTGTCGGCCGCCTTCTGGACCCAGGGGAACTCTCTCAAGCGAGTGGAGGCAAGTACT  
GATTGTCGAGTTTTGATTAGAGGGCGTGGTAGCATTAAAGGATCCAGCTAGGGAAGAAATGATGAGAGGAAA  
ACCAGGTTATGAGCATTGAATGAGCCTCTCCACATCCTTGTGAGGCGGAATTGCCAGTTGAAATTATTGATG  
CTCGCTCATGCAAGCCCGTGAGATTCTTGAAGACTTGCTCAAACCAATGGAAGAATCTCATGACTTCTATAAG  
AAGCAACAGCTACGGGAAGTAGCCATGCTTAATGGCACGCTTCGTGAGGAGGGCTCGCCTATGTCCAGTTCC  
GTATCTCCCTTCCACAATAGCCTTGAATGAAGAGAGCAAAAAGTGGGGTAAATGGAATTGCTGCTTCATA  
GAAGAGGCTTTTGGAGATCTTTTCTAGTGTCTGGGAGTAATCAGCAGTCCCATTCAGGTGTTGCCTGCAG  
CCAATGCCTTCACTGCAATCGGGGCACTCGCACTCTTACGTTACGTGCAGGTTCTTACTAAAATTTATATGGTG  
TGTTTATGTAGTATTCGGAAGAGAAGGTAATGTACTGACGTGGAAGTGTCAATCAGTTAAGTATTACTAGTGA  
TTGGGGGGTGGGCTATATATATCTATATTTGTTGCTCTAGCAGTTAATGGTTTGAAAAATCTCTCCAACAATTT  
AATGTGTGTTATTTACTAGGCTTTTTTATAAGGTTATGATAGAAGTTTCGATATTATGTAGGATGGTGGGTTCT  
TTTGGGACTTTCAAAGAAAAAAGGGCCAGGCTT



>trans\_c\_370 AY219234|Nicotiana tabacum arm repeat-containing protein mRNA, complete cds

AAATTTGAAGCTGCTAGGGAAATAAATTTACAAGAAAGCCAACACGAATTTAGGAAGCTCAGCACCCTTT  
GTTTTCAATTTGGACACTGCTTGGATGTTGGATCTGCCTCTGATCAATCTATTACAGAATTTAGGCCACCAAGT  
GTCAGTGGACTAATAGCTTGCACCAAGGAATTATTGGGAGGTAAAGTCGGAGCCATCAACTTACTTGGCTTTG  
ATCATACTGCTGACAGAAATCAAAATACCCGTCTCAAATGCTGATAGCAAAGAGTCAAATATCATGCCAACAG  
CCGTATGAAAGAATGGTCCATGAAATAGTTTCTACTCCTGTACTGGAGGTTATATCTGACCTCACAGGCATTAA  
AGCCAAAGTTCAAAAGCTGGTTGAGGACTTGAGGAGTGATTGCTTGAAACTCTAAGAACTAGTACAGCTGA  
ACTACGGTTGCTCACCAAGATTGATGCGAATAATTGGACGGTGATTGCAGACTATGGAGCAATTAGCCTTTTG  
GTCAATTTGTAAATTCACGGACACTAAGATTCAAGAGAATGCTGTTACAGCACTTGTGAACTTATCAATCGA  
CAATAATTGCAAAACTATCATTGTTCAAGCCAATGCAATTGAGCCTTTGATTCATGTTCTTCAAACAGGTAGCC  
CGGAGGCAAAGGAGAACTCAGCTGCTACTCTTGGTAGTCTTCCGTGGTTGATGATAACCAGGTCAATATTGG  
GAGGTCTGGGGCAATAGGGCCTCTGGTTGACTTGTGAAGGATGGTACTCCTCGGGGAAAGAGAGATGCAG  
CTACCGCACTGTTTAATTTGTCATTGCTTCCGAAAACAAGCCAAAAAATTGTGGAGGCTGGATCAATCAAGCAT  
CTTGTAAGTTGATGGACCCAGCTACAGGAATGGTCGAGAAGGCAGTAACCGTCCTGGCAAATCTTGATCA  
ACAGATGAAGGAAGGATCGAAATTGTACGTGAGGGTGGTATTGCTTGTGTTGACTATTGAGTTAGGT  
TCTGCCAGGGCAAAGAGTATGCAGCTGCAGCATTATTGTGGCTTTGTGGAATCACGAGTAGATATTGCATCA  
TGGCAATCCAGGAGGGAGCTATTCCACCATTAGTGGCACTTTCACAATCAGGCACCGCACGGGCCAAGGAAA  
AGGCCCCGGGCACTACTCACCTGCTTCAGTAGAAATAAGCTCACATCACATTAGTAGGGGATCGGAAGGGACC  
AGTTCATAGACATGGTTTGGCACTTACAGCTTGTTCGTGGTGTATCTGCATTAGATGGTACATATATTNGGG  
GTGTTGTTAGATAATTATAGTTGCAGAAAGGATTAAGGGGAAAAGAAAACCAAAGAATGGCAGGGGTTTGA  
TGATTTTTTATTGTTTCATGCTGAATAACCGACTTTGTTGTGCTGGTCTTCAGAAAATTGATCAATGAAATCATT  
GAAATGTTCTTGCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_371 NM\_001059595|Oryza sativa Japonica Group Os04g0472300 (Os04g0472300)  
mRNA, complete cds

AACTAAATCACCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAATTGCCAGCTCCAAACACCTTCTCTG  
CCGAAACTTCTCTCTAATTTGACATTATAGCTCATCCATTGATCTCCACCTATCTTCTCCGATCAACAGCTG  
TGGATTTCCCGCGGACGCTTCTCAACTCCCAATCACTTGCTCGAACAATTTCCGGCAATGTCTTCTTCTTC  
CCGCTCTCTCTTATTTTCTTCTCTCTGTTTCTTCACTCCTTCTCGCCCTCGTATCAGCTCAGGGATCTAACTCTA  
CAGCTCTATGGCAGACTCTGAGTGGAGATGCTCCATTTGTTGTGGCTCGCGGTGGGTTTTCAGGGCTGTTTCC  
AGATTCAAGTGGAGTTGCCTACAATTATGCAGTTATGGTTAGTGTTCCTGACGTGATCTTATGGTGCATGTG  
CAATTAACCAAGATGGAGTTGGAATCTGTCTCCCGATCTGAAGCTTGACAATGCTACTGATGCTCCGACTAC  
TCTGGGGAAAAACCGCACTAGTTCCTATCTTGTTAATGGCGTCCGTACGAGTGGATTGTTTACCGTCGATTTTG  
ATTTCAAAGAACTGGAAAATGTTTCTTGTTCAGGTATCTATTCTCGATCCACCAAGTTCGATGGCAATCAG  
TTTGTTATTCTTACTGCTGAAGATGTGGCTAATCAGTTCAGCCACCAGGATTTTGGCTTAATATTCAGCATGA  
TGTGTTCTTCACGCAGCATAACGCGAGCATGAGAACTTTGTAATTTCTGTAACCAGACGCATCGTTGTTAACT  
ATATATCATCACCAGAGGTGGGATTTCTCAGAAGTATAGCTGCACGAGTTCCTCCGACACAACAAAGTTGATCCT  
TCGGTCTTAGGACCAACTGATACAGAGATTACCACCAATCAGACATATGGCTCGCTCTTACGAAATCTCACCT  
TTATCAAGACATTTGCTTCTGGAATTCTTGTCCCAAGACTTATATATGGCCTATGGGTACAGATGGTTACGTA  
CAGGCTCAAACCCCTCTGTTTCTGATGCTCATAAAGCACAGCTGGAAGTTTTTGCATCAGAGTCTTTAGTGA  
CCTTCCACTAGGCTACAACACTACAGTTATGATCCCGTTACTGAATACCTGTCTTACTTTGACAATGGTAAATTTTC  
AGTTGATGGTGTGCTCAGTGATTTCCCTATTACTCCATCGTCAGCTATTGACTGTTTTGCTCATCTGGATAAAAA  
TGCCAAAGTCAAGCCAAGCCTTTAGTTATTTCAAATTTGGAGCTAGTGGAGACTATCCTGGTTGTACAGACT  
TGGCATATACCAATGCTATGTCAGAGGGTGGTCGAAGTGCTCGACTGTCCCGTTCAAATAACAAAAGATGGA

ATACCATTTTGCATGAGCTCAATTAATCTCATCGACAGCACACAATATCTCAATCACCATTCATAAACCGTTCN  
AAAAAACATCCCTGAAATT

>trans\_c\_372 FJ014471|Camellia sinensis senescence-related protein mRNA, complete cds

ATTCAATTTCTCCACTCCCATCATCTCATACGTTCACTAATCCATCCATGGCCTCTTCAAATCAACAACCCACTT  
CTTCATCGTCATCTTCCCTCTATCCCTCCCTCGACATGAAAGACCTCGCCGAAAATCTCTTCCCCGACGAAGACC  
CCCCTGTTTCCGGTCACAAACACCCCGATTCTCCGAACGTTGACGATTACAGTGGGAAAGTTGCGAGGTTGA  
TTGCGGCGGGATCGGGACGGGTGATTAAGGGGATTTTGTGGTGTGGGGATGTAAGTGTGGATCGATTGAATT  
GGGGAAATGAGTTTATGAAGAAACGGATGGGGCCTCGTTCTGATGTAGAGATAAGTTCAGTTGCTATGAAGA  
GTATAAAGAGTGTGAAGAAGATGACGAAGATGACGGAGAAAGTGGCGACCGGAATACTATCCGGGGTTGTG  
AAAGTGTGCGGATTCTTTACGAGTTCGATAGTGAAGTGGGGAAGAAATTCTTTAGTCTTCTTCTG  
GAGAAATTGTTCTTGCTTCATTGGATGGATTTAACAAGGTTTGTGATGCCGTTGAAGTAGCAGGAAAGAATGT  
GATGTCAACGACGTCAGTTGTGACTACCGGACTTGTTCAGAAAGATATGGAGAAGAAGCAGCGAAAGCAAC  
AAATGAAGGGCTTGGTGCAGGCGATGCGATAGGAACAGCATGGGCTGTGTTGAAGATAAGAAAGGCTT  
TGAACCCAAAAAGTGCTTTCAAGCCAACTACTCTTGTAAGAGCAGCTGCTGCCATTCTAGTTCCTCAAGGTCT  
TCTAAATAAATTCATTAGATTCTTTTCTTTTCTTTCAATTGTAATGTAATTGTCCCTAATTATCATCATGTGGTCT  
GATGGAATTGTAATGCCCAATTTTCTGTAGTGGGGTTTGTGTTTCTATTGTTTGTGATTATTTATTTTGT  
TATCAACAATTTTGGATATAATACACCTGTTTTGATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTAAAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGC  
CCCCATTCCCCCAAAGGGAGCCAAATAACCCCCCCCCGGGGCCCCCTTTTAAACCCCCGGGGGGGAAAA  
AACCCGGGGTTTCCCAAATTAAACCCCTTTGAAAAACCCCCCTTTTCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGC  
CCCCCCCCATCCCCCTTCCCAAAATTTGCCACCCAAAGGGAAAAGGGAAACCCCCCTGAACCCCCCAAAAA  
ACCCGGGGGGGGGGGGGGTTAACCCCAAGGGGACCCCTAAATTTGGCAAGCCCCCAAGCCCCCCTCTTTT  
TTTTTTTCTTTCTTTTCCCCACGTTTGGCGGGTTTT

>trans\_c\_373 AF370604|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g43340; T1024.8) mRNA,  
complete cds

AACGCGTTTGGCCGAAAAACCAAAATAACAAACGACCGAAACCGCCGAATCTCAAAATTCAAAGGAAAAAA  
AAAAAAAAAATGAGTTCCTTCCAATCTCAGATTTCTCTGTATCCGCCATTGAAGGGGACCCAGAAGCTCAA  
ACCTCCACTTCCAATCTGAATTCAGCTCTGAACACGATCGCGACGAGTCAGTTCTTCTACCTACTGGAACAA  
CACCAAGAAGAACCAGATCTTGCTCGAGGGTTTTGTGCGAGGCTTCAGATGATGATAATTTGACTAGAACAAAG  
AGCTTGACAGATGACGATCTCGAGGAGCTCAAAGGATGTGTGGATCTAGGGTTTGCCTTTGCTATGACGAG  
ATTCTGAGCTCTGTAACACCTTGCCGGCCCTCGAACTCTGTTATTCCATGAGCCAGAAGTTTATGGATGAACA  
CCAAAAGGAACCGGAAAAATCCTTTACCCGAGTCGGTGGATTCTGTTCCGGTCCCATCCCGAATTGGAAGATC  
TCTAGTCTGGTGATCATCCAGAAGATGTTAAGGCGAGGCTCAAATACTGGGCGCAAGCAGTGGCTTGTACT  
GTCAGATTATGCAACTGAAGGAACTTGAAAAATTAATAGACTGTTGCGGATGGAGATTTTCAAGATTGTTAG  
AGAAGATGACATGGGTCTTCTTCTGAGCTTGTGCTTGGCAATCCCATTTAAAGAAAAGCAAACTAAAAAC  
CATCTCCATAAGATTTTCCATTTGTAGCCAGAGATGGGTTTTTCTGAGACCGTGTATGTTTGGTTTAAATTTGA  
TGATGGACGAAGAAAGAAGAATGTGACAACGACGATGAAGAAGAATTTCTCAGGTTTGGGATCAGCCAATG  
ATCCAAAGAACTTGTGTCTGATTCAATTCTTTAGAAAATTGTAATAATTAGAATTTAAACATTGAGAAAGCAT  
TATTTCTCTCAAAATTTGGTTGCCTGTTGCTAATTGATTATATGTATGCTGCTTTCTTTATATTTGGTGGCTTCA  
AATTCGAATCTTAGTTAGTTTGTGCTTTTATGCAGTGGTGAGAGCCCCATCAGAGCTTCCACCAACAGCCTT  
TTGCTTCACACCTCTGTCAATGCTGAGTTCACGAATATGGCCTGGATGAAATATGTATACCGATTTGTTGAGG

TGGGGGAGAATTGTCTGGGTCGTGTTGGTTTGCATCAACTGGAGTTGTTTTCTGGTTTCTTGTAATATGATAT  
CACCAGAATACGATCAGTTGATCTATCTTTTTCTGACTTGTGTTCCCTTGGTTCTTTGCTTCTGTGGCTTCCTGAG  
TGTGCTAACTATTGTGTTCAAGTCCACACAGCATGGCAGAAGAATTGAACTTACTACCTTGTACCAATGTATGAT  
TGGTTTTTCTTTTCATGATGAATAGGAGGTGTTTTCTTGTCTGGATTGAAATTGTACTGACATTACTAGAAAAC  
CATTGATCCCTTTTNAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_374 BT021996|Arabidopsis thaliana At3g27230 gene, complete cds

AGAGGTGAGCTTCAATGGGTTCTGTTTCTTTGAAAATTGGAGATGGAACGGCAAGATTCAAGAGGGCAACTC  
TTTGTCTTCAGCTCTCAACATTCTCATGCTCATTTCTGTGGTCACCACCAATCTTTTCGCATTGTATGCCTTCAC  
TACTCTCCCAAAGATCGCGAAATCCATACGCTTGATCGAACACACAAGAACATTTTCGTTGATATCGGAGCAG  
GTTTCTTTAATTCTTAGAGAGATCGATGTTTCTCAGAAGAAGCTTGCTCAGATGGAGAAGGAAATTCTTGCTA  
TGAGAGCATCGATCTCTCAGATCTAATGTTGCAAATGAGCTCAAACCTTTCTACAGCGTCATCCTCTTCTCT  
TGGTAAAGATTGAAAAGTGAATCACTGAAATGGTTGCATCTGTGGGGCATTTCATGTGAGAAATCTATGGA  
TCTTTTGTGCGAGTATATGAATTACAAGGTTTCTGGACCTTGTCTGACGATTGGAGCCTTGCTCAGAAGCTGA  
TTCTTCGTGGATGCGAGCCATTGCCTAGGCGGAGGTGTTTGGCTAAATCTGTGCCGAAGGTAGGTTTACAACC  
TTTTCTATATCTCTATGGAAACCTGTTAGTGATAAGATTNGTTATGTGGAGTGGACTTGGATGTAAGAATTC  
CAGTGTTTGAATAGTAAGAAATTAGGGAGAGATTTGTGTTGGTTGCTTCGATTTGATTAATGGGTTTGAGAAT  
CAGAGATTTGTTAAGGCTAGAGGGAAGAATGATTTTCCAATTGATGATGTTTTAGCTTTAAGTAGTGGTGGAA  
TCAGGATAGGTTTCGATATTGGTGGAGGGTCTGGAACCTTTGCTGCTAGAAATGGCTGAGAAAAATGTTACTGT  
CATAACCTCTACTCCGAATATTGATGCTCCATTCACTGAATTCATTGCTGCAAGAGGATTGTTTCTCTCTTCTT  
GAGTTTAGATCATAGATTCCCTTTCTATGACAATGTTTTGATTTGGTTTCATGCTTCAAATGGATTGGATATTGG  
TGAAAGCCTGAAAACTAGAGTTCCTTATGTTGATATCGATCGGATCTTAAGAGCAGGTGGATTGCTGTGG  
CTGGATAACTTCTATTGTGCTAATGATGAGAAGAAAAAAGCTTTAACTCGCTTGATTGAGCGATTGGATTCA  
AAAACTGAAGTGGTCATTGGAGAGAAATCTGAATCAGGCAAATCAGAGGTTTATCTGTCTGCTGTTTTACAG  
AAGCCTGTAAGAGTATGATGACGATAGCTAATCTTCAACAGAAAAGGAAAAAAGGTAAGAGAGAATCAATT  
TTTCTCAATCCTTGATATAAAAAATATTGAGTGAGTTATGCTAATAGCATTATTTCAAGAGTAAATAATGAA  
TAGCATAAGTTGTTTATTCTGCTTACTATGATAATAGTTATGAAGAAGAATGTAGCATTAGATCAGTCACTTAG  
ATGTTGTTCTGTTCTTNCATCTGTTAGT

>trans\_c\_375 XM\_002302001|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

AGCCTCAACTTCACAACCAACCTATGTGGCCTTCGATTCCCTTTATAGTTCTCCAACCTACCATCTTCCCTACTTTT  
GAACAGTCACCCACCAAATTTCTTCATTCCCTGCTAATCCCCACAAGGGTTTTTAAATTTTCTGCCCAATTCTTC  
ATCTTCCTCAATTTTGCTCTCCACAAATGGCGGACAACGGAATATCTCTTGTCGGGAATGATGGTATTGAAGTT  
GTAGATGAGAAAGGTTCCCCGGCATCAAGGTACAAGCGATGCAATTCTTATGAAAGTGATTCTCCTCTTTT  
TGTCGAGTTTAATCTCCAGATTGGCTCTGGATCTCGATGTCTTCTTGTGGCGCCAATGGATCTGGGAAGACG  
ACTTTGCTGAAAATTTTGGCTGGAAAACATATGGTTGGAGGAAGAGATGTTGTCCAGGTTTTAAATGGTTCAG  
CTTTTCATGACACTCAACTCGTATGTAGTGGTGACTTGGCCTACTTGGGAGGATCTTGGAGTAAACCGTTAG  
CTCTGCGGGAGAGGTTGCATTACAGGGAGATTTTTCTGCCGAGCATATGATATTTGGAGTTGAAGGGACGGA  
TCCTGAAAGGAGAGAGAGGTTAATTGACCTCCTTGATATAGATCTCCGGTGGCGAATGCACAAGGTATCTGAT  
GGGCAACGTCGTAGGGTGCAAATCTGCATGGGCCTGTTACATCCTTTCAAGGTTCTTATTAGATGAGGTCA  
CGGTTGACCTTGATGTCGTCGCAAGGATGGACCTTCTGGACTTCTTGAAGGAAGAGTGTGATCAGAGGGGAG  
CTACAATTGTATATGCAACTCACATATTTGATGGACTGGAGACATGGGCAACTCATCTAGCATATATTCAAGAT  
GGTGAGCTAAGAAAGTCGGAGAAGTTATCCGCAGTTGAAGAGTTGAAGACTTGTGCAATTTGCTATCTGTG  
GTTGAGACTTGGCTGCGTGCTGAAACCAAACCTTGAGAAGAAGAAGAAGAAGCAACCAATTCAACCTCCATCC

ACAATCAGAAGATTGTTTCTCTTTTCGGTTCGTCTCCTTTCACGTCTCCAGACATATGGCTTATTATCGTTAG  
CTTTGATTAGTAGTATTATTTTGGGCATAGAATCTAAGAACTTATTATGATTGATTCTAGTTTGCCATTGTTTT  
AGATCAAAATTGATCTAAATTGTATGTGCGATGTAATGATAAAAGTAAGAAAAGTGGGGTTCACAAGCCCCTG  
AGGGGTGGCCCTGGGGTATCTCGATTATACCAAGTTAGAGCTTAGAAGTCTAAGTTCGAACTTTTGGGAAGT  
TCAATATTTAAACTATTGATGTCTCTCCAGTTCAGGCCTTGGGAAGGGCATCAGTGTCTATCGAAAATAAGA  
GCCAAAAGCTCTAACTCCTAAGTTATTATAAAGAACATTCACAAGTTTAGAATGCAAAATAGATTGTATTTTT  
CTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_376 NM\_121355|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT5G13520) mRNA,  
complete cds

TGATCAAGGAAGGAGAGAAGTTATTTGGACGTTACGGTTGGGAGCGATTGATCTGCTTGTGTACCTCCAAG  
CTTTCCTTATGGTGGGATGGAAAATCCGAAGATGGTGTTCTTGACACCGACAGTGATAAAGGGGGATTCTACA  
GGGGCGCATGTGGTTGCTCATGAACCTTGCTCATAGCTGGACTAATCTGGTCACTAACAAAAACAACGAACATT  
TTTGTTGAACGAGGGTTTTACAACCTATGCAGAAAGGAGAATCATTGAGGCTGTGCAAGGGAATGATGCAG  
CTGCTCTCAATATAGGAATTGGTTGGAAGGGTTGAAAGAGGATGTTGAAAAATTAAGGATAATTTAGAATT  
CACAAAGCTAAAGATGAAGCAAGAAGGCGTGGATCCAGATGATGTGTATTCTCAAATACCTTATGAGAAGGG  
TTTTCAGTTTCTATGGCGTATTGAACGCCAGGTGGGAAGGCCCGAATTTGATAGATTCTGAAGGAATATATTT  
TTACCTATAGCTTTAGGACAATAGATACAGAGACCTTTCTTGATTTCTTGATAAAAGAGCTCCCTGGAATAGAG  
GAAAAAATAGATTTGGAACCTCTGGATTGAAGGCACTGGTATCCCTCCAGATGCTCATGAACCAAGTTTCTTATT  
GTACACGAAGATCCTATCGCTAGCCAACGACTTTAAGCTTGGTAAAAATGCCAAGGAAGAAGAACTGCTGAT  
TGGGGAGGCCAGGAATGGGAGCTGTACTTGGAAGATCTGCCGAAATCCATTGAAGTCTCACAGATTCAAGCG  
CTGGATGCGCGGTATAGATTCTCAGAATCGAAAAATTATGATATCAAAGTTGCATTTCTCAACTAGCTATTTCT  
GTCGAAGTACCGAGATTGCTATGCTGAGGTTGAGAAAACCTTTGAAGGAAGTTGGGAGAATGAAGTACCTTCG  
CACATTGTACGCTGCTCTTACACAAGGCCCTGGGATGGAAGAAGAGAAGATTTTGCCAAATAGGATATATTCT  
GAAGCTCGTGAGAGTTATCATCCGATCGCCCAAAGGGTCGTCGAGTCCATGTTTTCCAAGAAGTTATAAAACA  
CTTTGCCTTCTCATCGACCCGTGGGGTTCGACGTTTCAATCAAAGCTTGCTTGGATGTCCAGCTCTTGATTG  
GGATACAGGATCAATATTCTCAAAGAATGAAGCATACTACCAATGGAGAAAACCTTTCTGTAAATGGACAAA  
ATCATCATATGAAATTCAACAACTTTTGAAAGGCATTGGACAAAAGTTGAACAAAGATATATAGGTAAGAGC  
TTACTTGAAACCATACTCAGACATAACAAGATCTGGCTGCCCTTTTCCAGTTGCAATAATAAGTTCATTCTCAA  
ACTGAGGTAAAAGGTACGGTAAGAAGCATGCTANCATCTAAAAACCACTTCAATTGGTCTTTCACTTCCGT  
TTTAGTGGGGAATATAGGAGCTTATATCACTTC

>trans\_c\_377 AY081332|Arabidopsis thaliana alcohol dehydrogenase (At5g42250) mRNA,  
complete cds

AAAGAAAAAAGGAAGATGTAAGAAGAAGGAAGACGAAGAAGAGTTGGATGAAGTAGGAGAAAAATTTTGC  
GGTATCTATGCTGCGAACACCTTCTCTACCTTTAAAAACACGTGGGATGCCCATTAATTATGTTGCCATTGCC  
ACCACCCTCATGCTTTCTTTAATAGGTTCTTAATCACTCTACTTATTTGTTTGTTTACACCTCTTTCTTTCTTCC  
AATCCAACACGCCGGACCACTTCTCTCCCTCCACCTCATGGAAGAAAACCTCGGCGCCGGTAGCTCAAATCCAC  
CCTATTCGATGTAGAGCTGCTGTTTGCCGCAAGCCTGGTGAAGCACTAGTGATTGAGGAGATAATTGTGGCTC  
CGCCAATGCCTCGTGAAGTTCGAATTCGGATAATATGCATTCTTTGTGTCAGAGTGATATCACCTTCTGGAAG  
TTGAAGGATCCTCCGGGGATTGTTCTAGAAATTCTGGGCCACGAAGCTTCGGTGTAGTTGAGAGTGATGGG  
AAGGATGTCTATGAAGTTAAGGAAGGAGATTCTGTTATCCCAATTTTCATGCCTGACTGTGCGGAGTGTGCAG  
ATTGCTTATCAAAGAAAAGCAATCTCTGTTCTAAATTCCTTTCAAGATAGCTCCGGGGATGCCACGCTGTGGG  
ACTAGCAGATTCACGGATCTCAATGGAGAGGTTCTTCATCATCTTCTGTTCTGTCAAGTTTCAGTGAATACAC

AGTGGTAGATATTGCCAATATACTAAAAGTAGATCCTACAATACCTCCAAACAGGGCATGCCTCCTTAGTTGTG  
GGGTAGCAACAGGGGTTGGTGCGGCATGGAGAACAGCAAATGTGGAGAAGGGATCTACTGTTGCTATTTTTG  
GACTGGGGTCCATAGGTTTAGCTGTTGCTGAAGGAGCAAGAATATGTGGAGCAAGCAGGATCATTGGGATA  
GATGTCAACCCAGATAAATTTGAAGCTGCAAAAAAGTTTGAGTCACTGAGTTCGTAAATTCTAGAAGCCTTG  
GGGATAAATCATTGAGCGAGGTATGTAGGTTATCAATGAGGTTGAATGTGATTCACTTTTCACTTTCCCATCAA  
ACCTGCAATCTTAGCAACCAATGATTCTTACCCTTCACTATTGAATTAGGCAATTTTTCTTGAGGAGTTTTACTG  
GTAGGTAAGTTTTTAATTCCAAATATTGTTTATTGCTGTCTTTATGAGGCCAGAGCTTTGTTTATTTAGGATACT  
TGAAATTAAGTAAATAAGGAGAAGAAATATCTTTGTTGCTACCTTCTTAAAGTGGATGTGAAATGATATCCTTC  
TTCATGAATGGTCAAGGTGTTTTGTGACACTTCTGTTTATAGTGGCCAATAACGGCTTCAAACTAGAACAAAT  
TCGTAAGATATATATTGTTAAGGTTTTACCAGGATGTCAAGTGCTATCAATTACACATTTTGTGAATTTGATAC  
AATGGGAAGGTTGATTTTCACTAA

>trans\_c\_378 NM\_112358|Arabidopsis thaliana galactosyltransferase family protein (AT3G14960)  
mRNA, complete cds

AAGTAGAAACCGGAGAGCGGCTATCAACTGAATCGGAGAGGAGGCTTCTTCGATTTCCGCCATGCCTTCATCG  
CCCAAGCTTTTTCACTCTCGCCATTCCCCACTTCTCCATTCTACTCTAGCAGATCCTCCCTCTTCTTCTCTCCTT  
TTTTCTTCTCATCGGAATTTCTGGCTTCATCTTCGTCCTCACTTTTTTCTTCACTCCTCATCTCCCTTACAATTGCTC  
CAACCGTCAACCCAGAACCGTCAGAGTCGTTTGGGACAAAGCGCCTGATTCTGGTGCTTCTGTTACTACTGGT  
AGTGATGCGAAGCGCCATAAAGTGATGGGCTTTGTTGGGATCCAACTGGGTTTTATCTGTTGGTCGCCGGC  
GATCTTTGCGAAATACATGGTTGCCTTCTGATCGGGAAGGACTTCAACGTTTGGAAGAATCCACTGGCTTGGC  
CTTCAGGTTTATAATTGGAAAGACAAGTAATAAGGCGAAAATGTTGGAAGTCAAAAAGGAGGTAGCAGAGTA  
CGACGATTTTTTGTATTGGATATTGAAGAAGAGTATAGTAAGCTACCTTATAAAACGCTAGCGTTCTTTAAAG  
CTGCATATGCACTATATGATTCTGAATTTTACGTCAAAGCTGATGATGATATATATTTAAGGCCAGATCGCCTTT  
CACTTCTACTTGCTAAAGAACGATCACACTCTCAAAGTATATTGGCTGCATGAAAAAGGCCAGTTTTTACAC  
GATCCGAAAGTGAAATGGTATGAGCCACTGTCCCCCTTGCTTGGAATGAGTACTTCTTTCATGCCTATGGTCC  
AATATATATCCTTTCCGGCTGATGTTGTTGCAAGCTTGGTTGCTCTTAAAAATAATAGTTTCCGGATGTTTCAGCA  
ATGAGGATGTAACAATAGGTGCTTGGATGCTCGCTATGAATGTTAATCATGAGAATGAAAAAGCACTCTGTCA  
ACCAGACTGTACGCCAACATCTATTGCAGTATGGGATATCCCCAAGTGTTTCAGGACTTTGTAATCCAGAAAAG  
AACTGTTGGAAGTTCACAATAAAGAAAGCTGTACAAAGAGCCCACTTTACCGTCTGATGATGATTGATGAG  
AATCCCCATTTCTCAAGGGAGTCGAGCAGCATCCACCAGGGGAGGTTCTGTGTAGTCCCAAGCATATAACGTC  
AGTTTACCCCCCTTTAATCTTCTAGTATGTATTTTGGAAAAGATATCTATATATTCTTCTGATTCTAGCGGGG  
TGGCTTTAGAAATAGAGTTATAGAGCAATAGGAAATGAACAGTTAATTAGTTTTTGTGATCAAATTATTATGTC  
ATTCCGAGTTCTCTCATTTTTTGGCATCTAAGGCCATTTACTTCTGCAGAGTTGTAAATTGAGCACACCTTCC  
ACTACCTTTTTCTTTCTTTATTATTATGGCTGGCTGGCTTACATGCTTCTGAGTTTAAAAACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_379 AB490813|Solanum lycopersicum SIPP2C-1 mRNA for protein phosphatase 2C ABI2  
homolog, complete cds

TTGATAAATCAAAATAGAATCAAAGTCATTATAGAGTTTCTTGATTCTACTACTCCTCCTTTCTGCTTTTCTCAA  
CATTTCAAAGTGGTTGCTGATTATTGTCAAGAACGCATACACTTGGCACTAGCTGAAGAGATAAAAGGATTTA  
AACAAAATGAAGAAAATGGAAACAATGGAGAAAAGTGGCAGCAGGATTGGGAGAGAACCTTCAACAATTGC  
TTTCTTAGGGTTGATGATGAAATAGAAGGAAAAGTTGGTAGACCAGTCAGTGGAAGCAGTGGAGATGTTTCC  
GATACAAGCTTTGAACCTGTTGCCCCAGAACTGTTGGCTCTACGGCTGTTGTTGCCCTGGTCTGTTTCATCACA  
CATCATAGTTGCGAACTGTGGTGATTCAAGAGCAGTTCTATGCCGTGGTAAAGAACCCATGGCTCTATCGGTC

GATCATAAACCAAATCGCGCAGATGAATATGCTAGAATTGAATCATCTGGAGGCAAGGTCATCCAGTGGAAC  
GGACATCGAGTGTTCCGAGTTCCTTGCAATGTCAAGATCCATTGGTGATAGGTATTTGAAGCCATGGATTATTC  
CCGATCCAGAAGTCATGTTTCATCCCTCGTGCGAAAGAAGACGAATGTCTTATTTTAGCCAGTGATGGACTGTG  
GGATGTGATGACAAATGAGGAAGTCTGTGAAGTAGCTCGAAGGCGAATTCTTCTTTGGCACAAGAAACACGG  
GGCTTCATCTCTTGCCGATCGGGGCACAGGAGTTGACCCAGCTGCACAAGCTGCAGCAGATTACCTCTCAATG  
CTTGCTCTCCAAAAGGGAAGCAAAGACAACATCTCTGTGATTGTAGTGGACTTGAAAGCTCAAAGGAAGTTCA  
AGACCAAATCTTGACAACACATAGTATCAAACCGAATTAACGTACCCTTCGAGCTCATAACTTCATACGTTGA  
GAGACACGGTACGTTTTAGCAGTTTACAACCTCAGTCCATTTCGACTCACGAATTTAATTTGTTCCAAAATATA  
GAAAACGTGTATATGTATCATAGAACCTTCCTCATGGAAATTCACCAGAGAAAAAGAAAAGGAACAGCATCTGT  
AATGAAGTTCTAATCTATGCTTTTGGACTTCACCATACCCAATACTTGATGATGCCATCTCGAACTACCATACCA  
TATGTATAGGTAGAGAATTTTGGGATTTACTGATGCAGTTTCTTTGGATCTATTCTTCGGTTTCTTACAGCCAA  
TCTAAAGTTCTGGGGGATATAAGTAAGTTATTTGATTCTGCTTACATTATATAGTCTCTTCATTACTACTTTTCA  
ATGGTAGGAATAGGATCGGAGAGCAACATTCCCCTTGATTTTGGGTTGTGTTGTGTTTGATTAGTTATATCTT  
TTTCTTGGATCAACTCCAAATTCCTTCACAAGACGATGATATTGTAGATTTATTATATTCATTTTGTCTTC  
GTATTTGCATATACTTATTGTATTT

>trans\_c\_380 HQ449715|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc\_SSR\_6 sequence

ATTCACGTAAATTAGCCAAAATAGGAAGCTGTGTTTCCAAGCCCGCTCCTTCACGGGGAGCCTCGTCGGTGGT  
GCAGAGGCTCTCTCAAAATCAACATCACTTACTCCAATCTCAATCTCAATCCCAACCACCACCATCACAACCCCC  
CCTCGCCGCGCGTATCCTTATTGGAGTCACAGAATCCGTCGAAGATGAAGAGCCTCTTCAAGCCCAAGCCAAGG  
ACTCCTGTGATGTTGTTGTCGACTCGTGATCTTCTTATCTATACAGACCGGAACCCTGATACGAAGGAGAC  
CAAACGGGAGGAAAAGATGTTAGAGTTAAGTAAAAACGTTAGGGAGTTGAAATCAATACTTTATGGAAATAG  
TGAATCTGAACCAAGTTGCAGAAGCATGTGCACAGCTGACCCAGGAGTTTTTCAGAGAGAATACGCTTCGGCTT  
CTCATTAAATGCCTTCCTAAATTGAACCTGGAGACACGGAAAGATGCTACTCAAGTAGTTGCAAATCTACAGA  
GGCAACAGGTTCAAGTCCAGATTGATTGCATCTGATTATTTGGAAGCAAACATTGATCTGATGGATACCTTAGT  
AGCAGGCTATGAAAATACAGAGATGGCTTTACACTATGGTGCCATGCTGCGGGAATGCATACGTCACCAAAG  
TGTTGCCAAGTATGTTTTGGAATCACAGCACATGAAGAAGTTTTTTGATTATATTCAACTACCAAATTTTGACAT  
TGCTGCAGATGCTGCCGCAACCTTTAAGGAATTATTGACGAGGCATAAATCTACTGTAGCTGAATTTCTTTCCA  
AGAATTATGACTGGTTTTTCGCGGAGTACAATTCCAAGTTACTGGAGTCAACTAATTACATTACAAGACGGCA  
GGCAGTGAAGCTGTTGGGAGATATACTTCTGGATAGGTCAAATTCAGCTGTGATGACACGCTATGTGAGTTCT  
AGGGAAAATTTGAGAATCCTCATGAATCTTCTCAGGGAATCGAGCAAGAGCATACAGCTAGAAGCATTTCATG  
TTTTTAAGCTTTTCGTTGCAAATCAAACAAGCCTGCCGACATAGTTGGCATTCTCGTCGCAAACCGAAGCAAG  
CTTCTAAGGCTGTTTGCTGATTTCAAACTGATAAAGAGGATGAACAGTTTCGAGGCTGACAAAGCTCATGTTG  
TTAGAGAAATTGCTGCCCTTGAACCCAAAGGACCATGAATTCCTATATGAATAGTGTTGTATTTTTTTGTATTCT  
CCACTTTATCTGTCCAATTTGGATGTCAATTATATAGCTCAGTCAGCTCTCCAGATGATGGCTTTGATTAAATGC  
TTTATAACGCTAATAATGGGCTTTTTTTTTTCAAATATATATATATATATTTGCCTTTTCCATGTATTCTAATGGTT  
TCAGCATGTATATTAAGACACTTGTTGTGCACGGTATATAAATAAAGTTTTATTGTTTTAGATGTCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_381 XM\_002330454|Populus trichocarpa arginine methyltransferase (PRMT901),  
mRNA

ACTTTAAAAGCACTTCAAAAACCTCGTTCGCCGCCGACTCTCTTTAAGCTCTACACCACCAAAGACTACTTCCCG  
AAAACCTTCATCACAAAAAACCTAATCCACACTTCTACTCTTCAACCACTCTATAATGGGTCGCCGGAAAA  
CTGACAATCACACTCCGACCACCCTCAACGGCTTGCTCAGCCCCAGGGTTCGAAGATTGCTTTGAAGACGA

CGACGACGAAGCTCCGGTTGAAGAAACCACTGAAAGCTCCAACCTCGACGAATCCATGTGCGACGCCGCCGA  
CGACTCAAACAGAGTCATTGAAGACACCGCGTGTGAACCCGGCCAGTCCTTCAATGATAAAGATGATAAAACC  
AGCGCTGATTATTACTTCGACTCCTACTCTCATTTCCGGTATTCACGAAGAAATGTTGAAGGATACAGTTAGAAC  
TAAGACTTATCAAAATGTAATTTATCAAAATAAGTTTTATTTAAAAATAAAGTAGTTCTTGATGTGGGAGCAG  
GAACTGGGATTTTGTCACTCTTTTGTGCCAAGGCAGGAGCTGCCCATGTTTATGCTGTAGAGTGCTCCCATATG  
GCCGATATGGCTAAAGAGATTGTTGAAACAAATGGATTTTCTAATGTTATAACCGTTTTGAAAGGGAAGGTTG  
AAGAAATCGAAGCTCCCGTCTCCAAAGTAGACATAATTATTTTCAAGATGGATGGGATACTTCTTGTTGTTTGAG  
AATATGTTAAATACAGTCCTATATGCTCGTGATAAGTGGCTTGTTGATGATGGTATTGTATTACCAGACAAAGC  
TTCTCTACACTTAACAGCTATTGAGGACGCAGATTATAAAGAAGACAAGATTGAGTTTTGGAATAGCGTATAT  
GGGGTCGACATGAGCTGCATCAAAAAGCAAGCCTTGGTGGAGCCTCTGGTGGATACTGTTGACCAGAATCAA  
ATTGTTACAACTGTCAACTACTCAAGACAATGGATATATCGAAAATGGCACCTGGTGTGCTTCCTTTACTGC  
CCCATTCAGCTTGATGAGAACGTGATGATTACATTCATGCTCTTGTAGCCTACTTTGATGTTTCTTTCACCAA  
ATGCCATAAGTTGATGGGATTCTCGACTGGTCCAAGATCAAGGTCTACACATTGGAAGCAAACAGTTCTATAC  
TTGGAAGACGTCATCACAGTTTGTGAGGGCGAGTCTATAACTGGGAGTTTGAACGTTGCTCCAAACAAGAAG  
AATCCTCGTGATATTGATATCGTGCTCAATACTCGTTCAATGGACGTCGATCCACAATCTCAAAGACTCAACA  
TTACAAGATGCGTTGATTCTTCTTAACATTGGCTTGCTCCTTCGAACGAAATCAATGTATTGAGTGTTGCTACA  
TTCTTTTTAAAGGTGTAAAGTATCGACATGCTTGATTCTTTTTGCCCATCTGAATGCTTTTAAATCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_382 AF370608|Arabidopsis thaliana protein phosphatase type 2C-like protein (F21H2.4)  
mRNA, complete cds

AAACAAAATCAACAACAAGAAGCTGAAGGCTGAAGCAGCGCCGCACACAAGGAGCAGCAAAACCGAACCCA  
ACAGTTTTTCTTTTTCTGCTTTAATTTGATCATTCAAGAGGAAATTCAGATTCTTAAAGGGGTTAGGGTTGT  
GTTTTAAGGGGTTTCTTTCTTTGTTGTTCTTCGTTTGGATTGTTGATTTTTGGAATTTGATGGTGCAGTTTGCT  
GAATTTTGAAGTGGGTTTGATTGCAATTTTCTTTTTGGATTGGATTATTGGAGGGGATAGATGTTGAGAAAT  
TAGCAGAAGGGGATTTCCGAATTTGACTTATGGATAAGCTGTGCTGTTTCATGCTTCATATTCTGGGATTAGA  
TCTGCGTTGAATTACGGTAAAGGAAGGAGCCATGAGGGGATAATCAAGTATGGGTTCTGCCTGGTTAAAGGG  
AAAGCTAATCATCCCATGGAAGATTACCATGTTGCTAAGTTTGTTGAGTTTCAAGAACATGAATTGGGGCTCTT  
TGCTATTTATGATGGCCATTTAGGAGAAAGTGTTCTGCCTATTTACAAAAGCATTGTTTTCTAATATCTTGAA  
AGAGGAAGAGTTTTGGGTTGATCCCAACAGCTCCATCTCAAAAGCATATGAGAAGACGGATCAGGCGATTCT  
ATCCACAGCTCAGACTTGGGTCGTGGTGGATCAACTGCTGTTACTGCTATTTTGATTAATCGTCAAAGGCTAT  
GGGTGGCCAATGTTGGAGATTCACGTGCAGTTCTTTCTAGAGGGGGTGAAGCTGTACAGATGACCATCGATC  
ATGAGCCGAATACAAATACGGAACGACGAACCATTGAGAATAAAGGTGGCTTTGTTTCAAACATGCCAGGAG  
ACGTACCTCGAGTAAACGGCCAGTTAGCAGTTTCACGAGCATTGAGAGACAAAAGTCTAAATCTCACTTGCG  
ATCTGATCCTGATATACGTGATATTAATGTAGATGCCAACACGGACATATTAATTCTTGCCAGCGATGGTCTAT  
GGAAGGTCATGGCCAACCAAGAAGCAGTCGATATAGCACGAAGAATTAAAGACCCGCTGAAGGCTGCTAAG  
CAGTTAATAACTGACGCTTTGGAGAAAGAGAGTAAAGATGACATTTTCATGCATTGTGGTTAGATTTAGGTGAT  
TTTAGCCTCTAAATTTTTTTTCTCCCTCCAGATTGAGTATATAACCCCCAAATAAAGATTTTCTTTTATGCA  
ATGGAAATTTAAGTATTAGGCCAACAAAGTATATACACAGTTTCGGGTAATCCCTTGCGAAGGCTACGATAT  
TTGTAGCCTGAAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAGTGACGAATACCGTATGTGTAAATTTGATTAGGCTG  
ATTATGTTTATATTTTTGATATGTTTTTTTCTCTTTTTTTACTGAAGTTGACTTTTGAGTTTTGGGTGTATAA  
TATGATCTTATTAATATGTAAGGACT

>trans\_c\_383 NM\_001054118|Oryza sativa Japonica Group Os02g0649400 (Os02g0649400)  
mRNA, complete cds

ATTCCGATTCTTCTCATTCCCCACCAATGGCGAGAGCCTTCTTAGGCTCCACGTCTTCTCTTCCCCACTAATC  
GCTTTACGCATCTCTTCTTCACCCCATCATTTTTCTTAACCAATCAACGCCCCCGTTCCCTTCGTCCCACCACCG  
TGTCCGTCGTCGCTATGGCGGAGGTTCCGTCGGAGAAGCGCATTAAAGCCCCACCCATCTCTCGAGGTCATCGG  
TGGAGGCTGCGATCAGTTTCTCCCAGCTTTTAAGGACTTGGATCTCCCCTATAAGCCTTTCCTGTAATTGGGT  
CGAATCGCCATTTGGAGACCATTTTTGCTTCTTTTTTAGGACTTGTCCCAGTGTTAACCTCCACCGGGAGTGTC  
TCCGTGCGGCAGATAATGGGACCGTTGCTCTCGATTGGGTACCGGTGACGATCTCCGTTTGCCTCTTGATTCT  
CCTGTTCTTATTCTTCTGCCTGGTTTAACAGGAGGGAGTCAGGATTTCATATGTAAGACACATGTTGGTTAGAGC  
TAGAGATCGTGGGTGGAGGGTGTGGTTTTCAACAGCCGTGGATGTGGGAACAGCCCTGTTACCACTCTCA  
GTTCTATTGCGCTTCATTTTTAGGAGATATGCGTGAAGTAGTTGCGCATGTTACTAAAAGATATCCCAAGCCTA  
ATGTGTATGCTGTTGGCTGGTCACTTGGTGGTAACATTCTTGTTAATTATTTGGGACAGGATTCCCTGACCTGT  
CCATTGTCTGGTGTCTGTCTTTATGTAATCCATTGATTTAATAGTTGCAGATGAGGACTTTCGCAAGGGCTT  
CAACAACGTCTATGATAAATCTCTGGCTAGAGCGTTACGTAAAATTTCAACAAGCATGCTGCTCTTCACTG  
ATATGCCTAGTGAATTCAATATACGCTTGGCTGCCAAAGCTAGAACTGTTAGAGACTATGATGATGCCTTAAC  
ACGCGTTTTCATTTGGTTTCAACACTGTGGATGAATACTACTCAAAGTCTAGCAGTTCAAAGTTCATAAAAGATG  
TCAAATTCCTTTGCTTTGTATCCAGGCAGCAAATCATCAATTGCTCCAAACAGAGGAATCCCCGAGAAGAT  
ATTAAGGAAAATCCAACTGTATGTTAATAGTAACACCGAGAGGTGGGCATCTAGGGTGGGTGCAGGGCCC  
GGCGTCCCCCTTGGTTTTCCATGGACCGATCCTTTCGTGATCGATTTCCCTCATGTATTTAGAAAACCAAAAATCC  
AAAGCCTCAGCTTCTTCTACAGATTTAACAACGGCAGAGGTAATGACATAGCCATTGATGGTGTATGATATCTA  
CGAGCACGAGTAGAAACATCGAAGATAGTCGTTGCTATCCCTAGCTAGTAGTTGATTATTTGTGAGATGATT  
AAAACATAATGTCATGTATATAGTTTATTTAAAAGTGTCAAATGCAGGTCTCAATCTAAATCAAAGTTATTTGTT  
TCTGTATTTCTTTATG

>trans\_c\_384 NM\_125988|Arabidopsis thaliana BSD domain-containing protein (AT5G65910)  
mRNA, complete cds

AAAGAGGATTTGTCTGAGCTCAAGAATACCCTAACCCGCCAATTCTGGGGCGTTGCCTTTTTCTCGCCCCCTCC  
GCCTGAGCATTCTGCTTCGCATTCTCAACTCTCTGATCTAAAACCTAATGAACCGATTGATAAGTCAACAACCG  
ACAATCCATCTGATTCTAAATTGTCTGAAGAAGATCTAATTGCTGGAATTGCGAGTGATTTGCGGGAAATTAGC  
GGGAAGTTTAAGACCGGGATCTCGAAGCTTTCAACACCAAGACCGTTTCTGATATACCAAGATTGCTTCCA  
ATTTTCTTCAGTTTGGATCAGAGGATTCTTTGGAGAATTATGATGTGGGGAACGCGGTTGGTGTGACAGAGG  
AGGTTTTGATATTTGTGAGGAATATTGTGCAGCATCTGAGACCTGGCTGGACTTTCCTCTTCTTATGACGAC  
GATTCCGACGATCTTGAGTTATCTGATGCCAGCAAGAACATGCTCTAGCAGTTGAGCATCTTGTCCAAGATT  
GGCTGCTTTGAGGATTGAACTTTGTACTCAATACATGAGTGAAGATTGCTTTTGAAGATCTATTTGTGCTCT  
TGCATCCTAGACTTAGCAAGCATGATGCTGAAATTTTATCAACATCTCAAGTCCTAGAAGCCAGAGCACAATTT  
CATGAATTACAACAACGAACCAAGGAACATATTGAGCCTCATATATCTAGAAATATCTCTACTAGTTCAAAAGG  
ATCTTCTGATTCATCAATGAGGAGCTTCTCTGTTCCATATAGAGATCAATCTGAACCACCAATTGTTTCAGAA  
ATCCCCTGACAGTACAGCTCCTCCCTCAATAGTGAAGTGTGAGACCGATAAGCATCCAATTAAGAACGTG  
GAAATCCAAGTTGTAGACAATCCTATCATTGAGGAAATGCCCTGCAAACCGGTGTTGAACATTCCATTCTG  
GTCCTTCCAAAGTTTTTGTGATGACATAGACGTGGACGATGCAGATGATAGGTGGAAAGAAGAGACTCTTGAGA  
TTGAAGGCGACAGTGGAACCAATCCCTATTGGGAACGACGAGGATGTATCCTTCAGCGATCTTGAGGACG  
ATGATCAGGAGATGCCGGCATATCATAAGAAGGGTACATCGGGCTCTGACTCCTCAACTAAAGATTCCCGAG  
ATTGGGTTTCAGCTTAGCCGAACCTTCTGGCGATTGAGACAAGGACATGAACACCGTAGAGACTAAGCATGCTG  
GATCCAGCCAGGTAGGCACCCGCAAGGAATCAAGTGAAGTGGCTTAATGTCGATGACATTGATTCAATGTGAC  
AATAACTCCATTAATCTCTTCAATCCGTCTATCTTCAAAGAATTTTATCTCATTCTCTCAATGTATATCATCAAT  
GTATTTTCTCTATATGAATTGAGCGTTTTGCGTTTGAAACTACGTCATGATATCTCTGTATATAGAAGAACTTG  
TAAAACACAACATTCATTTACATG



>trans\_c\_385 D79216|Cucumis sativus noncoding RNA for CR20

CCGGGGGCATCGGCGCGGACTTCGTTAGGGTTCCTAATCTTGGATTCTGTGTTTATGATCGGGGGTCAACGGA  
GATCTTGTTGATTTCTGTTCAACGTAGCCAGAGAATGGATCTGCGGACGTCTGAGGCCGATGATCGTTCCTAT  
AGCTATTTTGTGGGCGAGTTTGGCTGGTGGAGCCTGTCTGATGATCCAGATCTGCCAGGAGGAAACGATAT  
GAAGTCGGATCTTGGATCTCTCCATTCTGATCTCCTTCTGGAGCCGTTGTCGCTTGTTATCGTCGACTTGTTTG  
ATATCTATAACAATCATGAGTTTGTGTTATCGTTGTGGAAGATGCGATTAAAGAGTCTGATGAGACCTTTTTCGTA  
TTCGATTGAAGCATAACTCTGTATTTAATATAGAGCGCATCGGAAAGGATTAGATTAGTGTGCTCTGGAT  
GTGAAAGGTATCGGGAGGACTTCCTCTTTGTGGGGGATGAATCTTTATGTTTCTTTGTCATCCGACTCCCAAAC  
GTGCAGGTGCGCTTGCATGGCAGGTCATCGAAAAAAATAAAATAGCATCGTTTTTGTGTTGAGGAAGAAGC  
CGCACGGGGTTTGCCCGGGTTTCTTCCTCGCTGCTGTGTGTTTTCTTCTCGTTCTCTTACTCTCAGTTCGTCT  
ATCTTCAACCGCCATCAACTGCTTCTTGATTTCTCTGATTTGCGCGCCGCCGCGCCGAGCGTTTTCTGACGAT  
TTTCTTGCATGATTAAACAACACACGAGAAAGATAATTTATTCTCACATCTGCATCAATACTTAAACAATCATC  
TGCATCGATTCTTAAGTATTCTGGTATTTATCTCCACAATTCATATGTTTTCTTATCGAAATAACAAACACAAC  
TATCGTCTGTTTTCTTATCAACACGTATCGTTTCGAATTATCTGTTTTCATTTCAAAGATTTAGGCCTGGTGCC  
GAAATTATTTCAAAGTTTCCCAAATTGTTTATTGAACCTTTTCGACAGTGATTTTGATGTGCAAGATCATTTTG  
CCTCATAGATTCTTTAATAATATATTCATAACGATGCACATTTGATTTTTCTTCTCAAATTATATGTTCT  
TCAGATAACATTGCACGTCATCTTGATATTTTAAAGCTTAAAGTAATAAGTACAAGAATATTGTAGTGAGTTA  
AAATATATAATCTAATAGCGATTCTAAGTAATATATTATTTAAATCACCGTTCGTGGGTGCGTCCATTGCGGAC  
TACTTACTAGACAATACGACTCTTCTACCCAAATCGACATATAGCTTTCATTTGGCGCATTGACTTTCCTATTC  
TTTTCTTGCCAAGTATGGAGAACTTTCTTGAGAACAATTTGATGTAAAAGATTTGGTTGTACTTCAGATGTTT  
CAGTGGTGTGGAAGTCCTGTAAGATTTTCAGTATAGTAGTAAGTTTGAATTTGATTCTGTCTGTAGTTAGCT  
TTGCT

>trans\_c\_386 AB515349|Lysichiton camtschatcensis LcUCP mRNA for uncoupling protein,  
complete cds

AACGACGAGACCCATTATTCTTCTTCTATTCTTTGTTCTATTTTGATTTTGTGCTTTTCTCTCTGAATTCC  
TCCTGATCTTCTCTCTCCGGTTCAGTCTAGTGGGTTTCTTTCTTTCCCTTTGGGTATTCCGGTTTAGCCATG  
GTTGCCGATTCGAAAGGCCAAATCGGACATCTCATTTGCCGGCACTTTCGCCAGCAGTGCTTTTGCTGCTTGTT  
CGCTGAGATATGCACCATTCATTAGACACTGCCAAGGTTAGGCTTCAGCTGCAAAGAAAGCGGTTGCTGGT  
GATGTCTTACCAAATATAGGGGCATGCTGGGCACAGTTGCAACCATAGCCAGAGAAGAAGGTTTGGCGTCC  
TTGTGGAAAGGCATTGTTCTGGATTGCATCGTCAATGCTTATTTGGAGGCTTAAGGATTGGGATGTATGAGC  
CTGTCAAAAATTTTATGTGGGCAGCGACTTTGTTGGTGATGTTCTTTATCGAAGAAGATTCTTGCTGCACTG  
ACAACCTGGTGCTTTAGGGATCACAATAGCTAATCCAACCTGATCTTGTGAAAGTTCGACTTCAAGCGGAAGGAA  
AATTACCTCTGGTGCGCCTAGGCGTTATTCTGGGGCATTGAATGCTTATTCAACCATTTGTGAGACAGGAAGG  
AGTTGGTGCTCTATGGACTGGCATCGGACCAAATATAGCAAGAAATGCGATTATAAATGCTGCAGAACTAGC  
AAGCTACGATCAAGTGAAACAGACAATTTGAAAATTCCAGGTTTCACGGATAATGTTGTTACTCATCTTCTTG  
CTGGTCTTGAGCTGGGTTTTTGGCGTATGCATTGCCTCCCCGGTTCGACGTGGTGAAGTCAAGAATGAGGGG  
AGATTCAACTTACAAAAGCACACTTGATTGTTTCATCAAGACTTTAAGAAACGATGGACCTCTAGCATTTTATA  
AGGGCTTTATCCCAAATTTGGTCGGCTGGGATCATGGAATGTGATCATGTTCTTAACCTCTAGAACAGGCCAA  
GAAGTTTGTGAGAAATATAGAATCTTCATCTTGAGCTATGGGGGAAGTGTTGTGCAAGCAGGATTGCTCCCTT  
TTCAAACCATTTGCTAAGAGAATAAAAAGCACCCACAGGAATAACTTTTACTTTCTGTGCTGATTCCATTGATG  
ACATTAAATATTCTGCCCCGGCCATGTGAGAGAATAAGATGAAAGTAATCCTCAGACCGATGGTTCTTTCTCAA  
TGTTGCCATTCAATTTCTGTACTACGTGCAAAAGAATTCATTCTGCTAATCAGAGTGACAATGGTCTAGACTAC  
AATCTTCTGTATTTTAGTCCATTTGAAACATCTTTAAACGAAATTTTTGAAGTTCCAGAGATATTTGGCCTTTT

TATCTATTTACCTTCAGTTAGGAAGCTCAAATTTACTTACTTAATATATTGATTGTTTGGCCTAGTGTGACCCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_387 NM\_001035939|Arabidopsis thaliana ATBCAT-2 (ARABIDOPSIS THALIANA  
BRANCHED-CHAIN AMINO ACID TRANSAMINASE 2); branched-chain-amino-acid transaminase/  
catalytic (ATBCAT-2) mRNA, complete cds

ATATTTCTCCCAACACAACAAACCACTTTCTCTTCACATTTTTTGCTAATAAAATTGGCAATACAAAGAGATCAA  
TATTAATCAGCCACAACATGATTCTCAGAAGATTCTTCTCCTCCTCTTTTCGCCTTGTTTCTTCATCATCATCTTCT  
TCTTCTTCAAAGCTTGAGGAGGTTGTCATCGCGATGGGTTTAGGGCAGTATCTTCGATGCCGGAGCCTTGCC  
AATCATCACCTCTCAGTGATGATGAGAGCTGTGATTTTGACTGGGATAGTCTTGATTGTTGGGCTAATGCCGAC  
AGATTATATGTATATCATGAAATGCTCTAAAGATGGGAAATTTGAACGAGGTCAAATGAGCCGTTATGGGAAC  
ATTGAGTTAAGCCCTTCTGCTGGGGTTCTAAATTATGGACAGGGATTGTTTGAAGGCCTAAAAGCTTATAGGA  
AAAAAGACGGAGGCTTTTCGTCTATTTTCGTCCAGACCAAAATGCTCTTCGTATGATGACCGGTGCTGAACGGAT  
GTGTATGCCCTCACCTCCATCGAACAGTTTGTGATGCTGTGAAGCAAATTACCATTGCGAATAGGCGTTGG  
GTCCCTCCGCTGGGGAAAGGATCACTTTACATAAGGCCTTTGCTCATTGGAAGTGGTCTGTTCTTGGCTTGGC  
TCCTGCGCCCCGAGTATACTTTTCTAATTTATGCTTCCCCTGTTGCGCACTATTTTAAGGAAGGTTTACGACCCCTT  
GAACCTATACGTTGAGAATGAATTCGTTCTGTCATCTCGTGGTGGAAGTGGAGGTGTGAAAACCATTTCAAAT  
TATGCTCCGGTCTTAAAAGCTATCACCCGAGCAAAAAGCCGAGGGTTTTCTGACGTGTTATACCTTGATTCACT  
GAATAAGAGAGATTTGGAAGAAGTTTCTTCTTGAATATTTTCTTGTAAGGGCAATGTTATTTCAACTCCTG  
CTACAAATGGAACAATTCTCCAGGAGTAACCCGGAAAAGCATCATTGAAATTGCCCGTGATCGAGGTTACGA  
GGTCGAGGAACGGGCCATTAAACATGGAAGAACTGTTGACGCTCATGAAGTTTTCTGCACCGGAACTGCTGTT  
GGTGTGGCCCCAGTTGGCAGCATCACATGTATGGATAGAAGGATCGAATACCAAACAGGTGCTGACACAACA  
TGCCAAGAATTATATTCAACTCTTGTTGGGATTCAAACCTGGAACCATTTAGGATAAGATGGGGTGGACTGTTG  
AGATCTCTTGAGTTTTTCTCTGTCCACCGACATGAACAGTAAATTGCAAGTCCGTTCTCTGTGTCGGGTTTTAT  
CAGTAAATGTCTCAAAGTTTGTTATTTGTTTTACTTTTCATAAGTCCGTAGCTATAATTAAGCAGCAAGCCTT  
TAAGTCCAATACAAGTAATGAGGATCAAGAGCTGGAGATTTCGTATGAAAGTAAATAAAATATTTTGATATATA  
AATTGTGATAAAATGTTTG

>trans\_c\_388 NM\_001050182|Oryza sativa Japonica Group Os01g0631500 (Os01g0631500)  
mRNA, complete cds

GATTCGTTGGTGGATTGATTGGTGTGTTGTGCTTGGTGTGACCTTGATGCTGCGTAGTGGCAATTTCCGTTG  
CTGGGGTCGGTGGTGGTGAGTTGCGCCGTTCCCCAAACACGCAGCTTGATAGGTGCTGGATTCTTCTGGTAGT  
AGTCGTTAAAGGCATAAGAAGCGTGGTCTTTCATGGTGTGGGCTCAAAGCAACTACCTCCCGATTGAATCGC  
CGAGCAATCCGCGCCTCCATAGCCACAAGCATAATCTAGAGCTACCTGCAAAGCGTTTGGGGAAGCATTG  
GCTTGCTATGCACCAACTCCACCACCTGTGGTTGTTGGGGTTGTCGGGGTTATGGTTGGTCCGGTAGGGTTT  
GTTTGTGCAGGCGGATTAACAATTGGCGTCTGGGTGCGAGTTGTGCCACCTGGGGTGGTTGGATCTCACAAT  
GGGTATTGTGTCCAGTTGATTGCTAGATGTTGAAGTTGAAAAGTAGGGTATTTGTTCTCTTCATTTGTAGAA  
CATAGTCTTCTTGGTTTGCTTCAAAGAACGGTCTCTGTGCAATACTTGAACTAGACTGAGGAAAACCAACAAT  
GAAAGTAATGCAAAATGGAGCTGAATACAGGGACCAACGATTTGTGAAAATCAGAGATGTGTCAAATGTGTT  
TGTGTAAAGAAGAATTACCTTTTTGGCGGCAAGCAATATATACAAGTAGCTGGACGACAGAATCTAAGCTTT  
CTTGATCATCAAGAGTCAGAAAGAAGGGGAGGAGAATATGAGGAAACTTGAGAGAGGAGGCATTGTATAT  
TTGAATAGTTGGGAAGTGCAAGCAAGGGGAGTTTTAAAAAATGAAAAAGGTATATGGAGAAGGAAAGGCA  
AAATATATCTGCTATGAACTCAAATCTGATAGGTGTTAGAATAAGGTATAAGGAGAAGTACTGATTCTGCAGT  
TTTCGTGTGGTGGCATTTCCTCTCTTTAGAGCTTCTCTTTTACTGTTTTATGGGTACTGAATCTGAAAGTT

AAAGGTAGGTTTAGGCTATGGTTTATAGATTTGTATGCACAAGTTGCATCTTCTAGTTTGTGATCAAGAATATT  
GTCCCCCGGAGAATCTGTTTAAAGTCCCAAAGCTCACTGCTCTGCTACTTAGGAAGCAAAACAGGAATCAAAAC  
AGGAATCAAATCATTCTCTCTTAATGCATCATCTGTAGAAGCATTTGATTCTTCTTTACAAACAAGCCAC  
TAATCCACTCAACTGATAGATACTAATTATATTACCAGTAGTGCAGCAGACAAATGCAAAAATGCCAAAATGA  
TTCGGCTTAGTGGTATTAGCATGATCTCTATCCCCAGAGGTCGGAATAATCCCTGCTCTGGTGTCAACAAGAA  
AACAATTCTCAGCAGACTATTTGCCATATTTGGGGTCTTTAATTTTAGTGTATTTTATTCATGTAAACATTGTA  
GCTATTCTGTGACTGGTCAGAACTTTT

>trans\_c\_389 NM\_001054679|Oryza sativa Japonica Group Os02g0753200 (Os02g0753200)  
mRNA, complete cds

AATCCGCCATGAGTCTGGCACTTCTCCAAGGCTATTCTTCGCCGAAGAAGAAGCTGAACACAACCTCTGTCTTC  
AACCACACCTCTTCGACGATGACGACGAAGATCTTGCCGCCGCCGCCCTCCGCCGCCTCTACGGTTACCGT  
CAATCTTTCCATTTCGTGACAAGTCACTTTTCTGAACCTCCGCAGCCCTCCTCTCAGCCCCGGCTACCTTCTGCTTTC  
GACGCCCTTTCCGAAGTTTCAGGACCGCCGAGTTTCTGAATAATTCGGTTGAGGAGTATGCTGCACCGAGAG  
ATGCCGATCAGCCGCGAGGGGGACATGGGGGCCGTAGGAATCGTAAGGAGAAGAAAGATTGCTACTGGT  
GCTGTATTGGAGGCAAAAGCTCAATTAGTAGGGATTCATGAGCGAGTGAGGAGTGACGTTGAAAGTAATCAT  
GCATCAAATTCATCCATTTCAAATGCAACAGCGGAAGGCAAGCGCTGGCAACCGCAGCAAATCCAAATGCT  
GAAGATGCTGCAGAACTACTTAGAATGTGCTTGCATTGTGGCATTCCAAAGACCTTTTCAAATGCACGAGGGA  
TGTTTTGCCCTCTATGTGGCGATCGTCTCCTGAGCCGGACAGTGAGACCAAAAAGAAGGGATCTACCGTTAA  
AGATAAGGAAAAGATAAAGCGAATGAGGGGACAATCATCTCATGCTACCTGGAAGAGTGAAACAGAGATGC  
AGCTGAGACAACAGTTTGATTAATAAATTTTCAATTTAATGTCTATGAGCTCTTGAGACTTGTTATAGATAGT  
GTACCGTGATCATTCACTAATCTGTGATATTAATCATGTAAGGTTTATGTAGTTGATACTCAGACATTTTGT  
TTGGTAAACCAAAATGTTACCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAGGGCCCCCCCCGGCCCTCGAAAAGTTTATCAATCCCCCAACCTCAGGGGGGGGGCCCCGGCCCCAA  
TTCCCCCTATTTTGAGTCGAATTACCCGGGCTCACGGGGCGTTTTTTTAAACATCGGGATGGGAAAAACCTG  
GCTTTCCCAATTTAATCCCTTGGAATAAACCCCCCTTTCCCCCGCTGGGGAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCC  
AATCCCCCTTCCAACATTTGCCACCCTGAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGAACCGCCCCATTAACCGCGG  
GGGGGGGGGGGTTACCCCAGGGGGCCCCCTATTTTGGCAGCCCCCTACCCCCGTTCTTTTCTTTTTTC  
CCTTCTTTTTTCCCCCGTTTCCCCGTTTTCCCCTAAATTTTAAATTTGGGGCCCCCTTAGGGTTCCAATTA  
TTGTTTTACGGCCCCCGCCCCAAAAA

>trans\_c\_390 U12573|Catharanthus roseus S-adenosyl-L-methionine decarboxylase proenzyme  
mRNA, complete cds

TCTTTTTCTTCACTACTCTCTACTATCCTCGTTCTCTCGTTCAATCTCTCGACATCATTAGCTTCCTTTAAGAAA  
AGATGACGTGTCCAACCTCTGCTATTGGATTGAAGGCTACGAAAAGAGGCTTGAAGTATCATTCTTCGAGCC  
AAGCGTTTTTGTGACCCTAGGGGCTTGGGTCTCCGTGCTCTGTCAAAGGCACAATTGGATGAAATTCTTACAT  
TAGCTGAGTGCACAATTGTCGACTCTTGTCAAATGACTATCTTGATTCTGATGTCCTTTCAGAGTCGAGCCTCT  
TTGTGTACCCATACAAGTTTGTCACTAAACTGCGGCACTACTAAGCTGCTTCTCTCAATCCCGGCTCTGCTGA  
AGTTAGCTGATTCTCTGTCTCTTACTGTGAAGTCTGTGAGGTACACTCGCGGCAGCTTTATCTTTCCTGGTGCCC  
AGTCTTTTCCCATCGCAGCTTCTCTGAGGAAGTTGCTGTCTCGATGGCTATTGGTCAAGCTTGGCCTCCAC  
GGTCTGCTTACGTGATGGGAAGTCCTGATGAAACGAGGAAATGGCACGTTTACTCTGCCTGTGCCAACATGG  
GGAATCAAAGCAATAACCCGTTTATACCCTGGAAATGTGCATGACTGGTTTAGACAAGGAGAAGGCGTCTG  
TCTTCTCAGAACAGATGCAAGTTCTGCTGCTGCAATGACTGAAAACCTCCGGTATTAGGAAAATTCTCCCGAAA

TCGAAATATGTGACTTTGAGTTCGACCCTTGTGGTTATTCCATGAATGCCATTGAAGGAGATGCTGAGTCTAC  
AATCCATGTTACTCCAGAAGATGGGTTTAGTTATGCAAGCTTTGAAGCAGCTGGTTATGACTTCGATGACATG  
AATCTGTCTAAGTTGATTGTGAGGGTGTGGCATGCTCCAGCCTTCTGATTTTTCTGTTGCCCTCCATTCAGAC  
GTCGTTGGTGAGAATCTGAAGACTTGCTCTGCCTGGAATTGAAGGGGTACGAGGGTGGTGAGAAAAGCTGT  
GAAATGCTGGGGGAAAATGGAACCGTCATCTACCAGAGCTTTATGAAGACTGGAGGAGATTATGCCTCATCT  
CCGAGGTCGACCCTTTTCAAATGTTGGAGTGAGGACGAGAAGGACGAGGAAGTTGGGAAGTATTAGAACTTT  
CATCAACTTTTACTCTAGCTCTTTTTTATCTTACTAGTAATGAATAAACGAAGAAGTATCTTGGGGGGGGTCT  
TGTTTAAGCTGCCTTGTTTATGCAGCATATTAAGAGTCGTGTTCTTTCATTAGTGTCTTGTTTTCTTTTCTT  
CATTGTTGGGTTTGTATTTTATTCTGCAATAATTCCCTGGTGGGAAAGCTTGTGTCCTGGAAGTCTGCCCCT  
GTTGGGGTGTCTTTCATCATATTATGTTATGATGAACTTATCAATCATATTTTCTATTTTAGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_391 EF093491|Prunus persica knotted1-like homeobox transcription factor (KNOPE2)  
mRNA, complete cds

AGAAAAAAAAAAGAAAAGAAAAGAAAAAAAAAGTGGCTCCGCCTCTTCTCTCGTCTAAGCGCTCGCACAGT  
GCGGGAGCCAACCTAAGCATCTATTGTTGTTGTTCTTCGGAAAAACACACTACTCGAGAACACCTGCACTT  
CTTCTTGGCACTCCCAATCCGGCAAACCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAATCTCTAATTCTGATTATATCTTTT  
TTTTTTTTTTAATTTAATCTCCAGTTCATCATCAACATCTTCTCCCGCATTTCTCTCTCCATCTTCCCGTTTC  
CGCTTCTATAAACTATTCTCCTAGTATGGATGAAATGTACGGTTTACAATCCACGGCGGAGTATTAGATAAG  
GCTTTGATGTCACCCGAGAATCTGATTATCCACCGGATTATCAGAGCCTTCTAGTCAGTCTGGAGAGTTTCG  
CGATCGGATTCCCGTGTTTGGATCCAACGAAGTCTTCAACTGCAGCATCAGCGATTCGGAAGCTGAAGCA  
GCATCGATCACGCCGATATTCAACGTGAAGAAGATATGGTGAACGTGATCAAAGCTAAAATTTCTTCTCATC  
CTACTTATCCTCGTTTGCTCGACGCCTATATCGACTGCCAAAAGTTGGGGCGCCTCCGGAGATTGCACATTTG  
TTAGAGGGAATCCGTCAAGAAAGCGACTTTTGTAAACCGTCATGCTGTCACCACGTGCTTAGGTGTCGATCCTG  
AGCTCGATGAATTCATGGAAACGTATTGCGATATGTTGGTGAAGTACAAATCAGATCTCAAAGGCCTTTTGA  
TGAAGCAACTACGTTCTTGAATAAGATCGAAGTCACTTAGTAACCTCTGCAATGGCGCCTTCTCCAGAAAGT  
TTCCGATGACGGTGCTGTCTCATCGGATGAAGAATTGAGCGGTGGAGAGATGGAAGTTGTGGAGGCGGAG  
GCTCAAACCAAAGGCGAGAACAGGGATCTCAAGGACAAGCTTCTACGTAGATTGGGAGTCATATTAGTACC  
TTAAATTTGGAGTTCTCAAAGAAGAAAAAAAAAGGAAAATTACCAAAGAAAGCCAGGCAAACCTCTCTTTGAA  
TGGTGGAAAGTTCACTATAAATGGCCATATCCTACGGAAGCCGATAAAGTAGCATTGGCAGAGAGAACAGGG  
CTTGATCAAAGCAAATTAACAATTGGTTCATAAATCAAAGAAAACGCCACTGGAAGCCATCAGAGAATATGC  
AGTTTGAAGGAATGGATAATGGTCTTTCTTCTGGTAGATTCTTCAGAGAGGACTGAAAAAAAAAGACTTCACT  
TTTAACCATCTCAAGATGTATATCCCAATTATTGTTTCTTCTAATTTGAGCTTTTGTGTTCCCTTCATGTA  
TATCTCAAAAAAAAAAAAAAGATATATATATATTTATATGGCTGAAGAATTTGGACACTGAAAATTATTGCTT  
GTGTTACAAATATAGAG

>trans\_c\_392 XM\_002877594|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AMP-dependent synthetase and  
ligase family protein, mRNA

AATTCGAGTTTTATTTATCGGACTCGGAATCGAAGCTGCTTCTCACATCGAAAGAAGGAATTCATCGGCACAA  
ACGGCTGCTACAAAGCTTAATATTCCTCAAGTGAAAGTGAGCCTGTCCAGTGGCGATGAGTATATTGAAGTCT  
TTCCGTCCCAATTGAAATGAGCTCGAATGTTGTGGAGATCGTTAACGATCCGTCCGACGCCGCTCTCTTCCTC  
CACACCTCCGGCACCAACCAGCCGCCCAAGGGCGTGCCGCTGACTCAACAAAACCTCGCCGCCTCTGTTTCAGA  
ATATTAAATCTGTGTACAAGCTTTTCGGAGTCCGATTCAACGGTACTCGTTCTTCCGTTATTCCACGTTACGGAT  
TAATGGCGGGATTACTATCATCGCTAATCGCCGGAGCCGCCGTGACTCTTCCAGCTGCCGGACGATTCTCGGC

TACAACGTTTTGGTCCGATATGATCGCCTACAACGCGACGTGGTACACGGCGGTCCCCACGATTCATCAAATC  
ATACTCGAGCGCCATTTAGCAAGCCAGAGCCGTCGTATCCGAAGCTCCGGTTTATTCGCAGCTGTAGCGCGT  
CGTTAGCACCTTCGATTTTGAACGATTGGAACAATCATTCCGAGCTCCGGTCTCGAGTCTTACGCAATGACT  
GAAGCGTCGCATTTAATGGCGTCCAATCCGTTGCCGGAGGACGGCGTACACAAAGCCGGATCAGTAGGGAA  
GCCGATTGGTCAAGAAATGGCTATTCTGGACGAGAACGGCGCGATCCAATCGGAAGGTGTGAAAGGAGAAG  
TGTGTATTCGGGGACCAAATGTGACGAAGGGATATAAGAACAATCCAGACGCTAACAAGTCCGCATTCATGTT  
TGGATGGTTCCACACGGGCGATATCGGCTTCTTCGACTCCGACGGGTACTTGCATCTGGTCGGCCGAATCAAG  
GAACTCATTAACCGAGGAGGTGAGAAAATCTCTCCGATTGAAGTAGACGCCGTGCTTCTATCTACCCCGACA  
TTTCTCAGGCCGTCGCCTTCGGAGTCCCCGACAACAAGTACGGCGAAGAGATCAATTGCGCCATAATTCCAAG  
GGAGGGAAGTTCGATCAACGAAGCGGATGTGCTGGAATTTTGCAAGAAAAACCTTGCGTCCTTCAAGGTTCC  
GAAGAAGGTGTTTCATCACCGATTCTTTACCAAAAATGCTACCGGAAAGATCCAACGCCGAATCGTAGCGGA  
GCATTTTCTTGCCGCTAAAGCTTGATCCGATTGAAGTTGAACTTGGATCGGGAATCTTCTTTTTTTTCTCTTTT  
GGGAAAGCTTANGGGAGGTTGTTGTTAGTTTATTACTCCGACGATGTTGATGTTGATGTGATGGGTTCTAT  
TGTGAGAACTACGAACAATATTTTATCTATATGTAAAAGAAAATAAAATTGATATATTTTTCCATTAAATAAATA  
TAGTTTTATTTTCGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_393 XM\_002887829|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATGCN3, mRNA

CAGAGGCACGTGCTGCTTCCATTCTTGCTGGCCTGAGTTTCTCCCCAGAAATGCAGAAGAAAGCAACCAAAAC  
GTTTTCGGGAGGTTGGAGGATGCGTATTGCTCTTGACGTGCATTGTTTCATAGAGCCGGATTTGTTGCTACTT  
GATGAACCCACAAACCATCTTGATCTTCATGCTGTTCTCTGGTTGGAATCGTACCTTGTGAAATGGTCCAAAC  
ATTCATAGTTGTTTCTCATGCTAGAGAATTTTTGAACACGGTAGTCACGGACATCCTTCATCTTCAAGGGCAAA  
AATTAACGACTTATAAAGGTAAGTATGATACATTTGAAAGGACGAGAGAAGAGCAACTTAAGAACCAACAGA  
AAGCATTTGAGGCAAATGAACGGACAAGATCACATATGCAGTCGTTTATCGATAAGTTCAGATGCAATGCAAA  
GAGGGCATCTCTTGTTCAATCAAGGATCAAGGCTTTGGAGCGAATTGGTCATGTGGATGAAGTTATAAATGAT  
CCAGACTACAAATTTGAGTTCCCAACTCCAGATGACAGGCCAGGTCCTCCTATAATAAGTTTCAGCGATGCATC  
ATTTGGCTATTCAGGTGGCCCCATATTGTTCAAGAACTGAATTTTGGGATTGATCTTGATAGTGAATAGCAA  
TGTTTGGTCCAAATGGCATAGGTAAATCAACTATACTCAAATTAATTGCAGGGGAACCTCAACCTACCTCTGG  
AACTGTTTTCCGTTAGCTAAGGGTCGAATAGCTGTCTTTAGCCAGCACCGTTGATGGGTTAGACTTGTCTT  
CAAATCCACTTCTGTACATGATGCGTTGCTTCCCTGGTGTGCCAGAACAGAAGCTTCGAGCTCACTTAGGTTCA  
TTTGGTGTAACCGGAAATCTTGCTCTTCAGCCTATGTACACGCTATCTGGTGGTCAGAAAAGCAGAGTCGCTTT  
TGCGAAGATCACATTCAAGAAACCACACATAATATTACTTGATGAGCCATCCAATCATCTGGATCTGGATGCA  
GTGGAGGCTCTAATCCAAGGCCTTGTTTTGTTCCAAGGAGGCATTCTCATGGTTAGTCACGATGAGCATCTGA  
TATCGGGAAGGTGTCGAGGAGCTGTGGGACAGTGTCTGAAGGTAAAGTAAATCCATTCCGTGGCACATTCCAAG  
ATTACAAGAAGATATTGCAGTCTTCGTAGAGGAATTTGACTTAAAATGAATTGTGTTGATATGGTTGTGAGG  
TAGCTTTAATATACACTATGTGCGCTTGAAGCTTTTCAACAGTTTTGGAATTTTATACATGTATACCACAAACAG  
ACATGGAATTTTCCAGGATAAAAATGCCATGTTGAAAGTGTAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGT  
TCTTCTGATTGGGGTGTAACAAGGATTCTTCACATTGACTAANAGGTAGGAAATCTGGTATTTTATCTGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_394 Y09101|P.sativum mRNA for cholinephosphate cytidyltransferase

AAAGAAATAGGGAGCGAAAATGTCGCGCTGTCGGAGGTGGACGCCATATAACGAGAGTTTAAAAATAAAAT  
AAAAAAGAAAAATAAAAAAACGAGAAAAAGAAATTAAGAAACGCACAACAAAAGGCTCAGCGAAGAA  
AAAGAATGAAAGCAAAAGAGAAGGGGAGATTTTAAGGTAATTGAATGGCGGAGGTGAAGCCCGGCGATT  
CACCACCAACATCACTACCGACACCACCACCGCTTCAACGGTTCTCAAACCATTCGAATCCGATCAGC

CAACGGACCGTCCGGTTCGAGTCTACGCTGATGGGATCTACGATCTCTCCATTTTGGTCACGCTCGCTCTCTC  
GAGCAAGCCAAGAAATCGTTCCCGAATACCTTTTTGCTAGTTGGGTGTTGTAATGATGAGACTACCCACAAGT  
TTAAAGGGAAAACTGTTATGACTGAAGCTGAACGATATGAATCTCTTCGCCATTGCAAGTGGGTGGATGAAGT  
GATTCTGATGCACCTGGGTGATCTCTCAAGAATTTATTGACAAGCACAAAGATTGACTTTGTGGCCCATGATT  
CTCTTCCTTATGCTGATGCTTCTGGGGCTGGGAAAGATGTTTATGAATTTGTTAAAAAGATTGGAAAGTTTAAG  
GAAACAAAAAGGACGGAAGGAATCTCAACTTCAGACATTATCATGAGGATTGTGAAAGATTATAATCAGTAT  
GTACTGCGCAATTTGGACCGTGGTTATTCAAGGAAAGAGCTTGGAGTCAGCTATGTGAAGGAAAAACGGCTG  
AGAGTAAATATGAGATTGAAGAAATTACAGGAGAAAGTTAAGGAGCATCAAGAAAAAGTGGGAGAAAAAGAT  
TCAAACAGTTGCAAAAACCTGCTGGCATGCACCGGAATGAATGGGTAGAAAAATGCTGATCGTTGGGTAGCTGG  
GTTTCTAGAGATGTTTGAAGAAGTTGTCATAAGATGGGCACGGCCATCAGAGATCGAATTCAAGAGCGATT  
GATGGGGGCACAGCAGCTGAAATATATATCAAATGGCAAGGACAGTGAAGTCAAGACCTTGATGAAGAATATTA  
TTACGACGATGATGATAATGAAGAATACTATGATGACGATGACGATGACTTCTATGAAGAATTTGAGAAAGAT  
GAAAAGAAAAGGTAGGGCATTGTTTATGTCAAGTTTGAATACATGTCACGTGCTTGTTCTGTGAATTCTACAG  
TATATTTTGTACTATATGTTTAGATGATGCAGATGGTAAAACCATAACTGCTAGTTTGTACCAAAGCCAGAA  
AAAAAAGAAAGGGCACTTTGGTGATGATAAGTTAGGAACCATTTCTTTGGTGACCCCTTTTAAAGATATA  
TGTTTCCTTTTTTGTGCATATGGATGAAAATTTTCCTTTCAAGCTTTGTAAAACAGGTCGATATGAAAGCCTTT  
TTTTTGCTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_395 GQ292783|Gossypium hirsutum UDP-L-rhamnose synthase (UER2) mRNA, complete cds

AGAATTGGTTCAATTTCTTGGATCCAAATCCTAAATATATTACTCTTCCATTTCTCTCAATCTCTTCTTCTT  
CAATCTCTTCTTCTTCTGCCATTACCCATGGGGATTCTCGCTGACAGTGGGTGAGGTTCTTCTCTCAAGTTCTTGA  
TTTACGGCCGGACTGGCTGGATTGGCGGTTTGTCTGGCCACCTCTGCCAACAAACAGGGTATCGATTTCACTTA  
CGGCTCTGGCCGCCTCGAGAACCGCGCCTCCCTCGAGGCTGATATCGCCGCTGTCAAGCCAACCCATGTCTTC  
AACGCTGCTGGAGTCACTGGCCGCCCCAACGTCGATTGGTGCGAATCGCATAAGGTCGAGACCATTAGAACC  
AATGTGGTCGGAACCTTGACCTTGGCCGATGTGTGCCGTGAGAGAGGCTTGATCTTGATTAATTATGCCACTG  
GCTGCATTTTCGAGTATGATTCCGCACATCCTATCAATTCGGGGATTGGATTCAAGGAGGATGAAATCCCTAAT  
TTTATTGGATCCTTCTATTCCAAGACGAAAGCTATGGTTGAGGATCTACTAAGAAGTATGAGAATGTGTGCAC  
TTTGCGCGTTGCGATGCCTATATCCTCGGACTTATCAAATCCTCGCAACTTCATTACCAAGATTACTAGATATGA  
GAAGGTTGTCGACATCCCAAACCTCAATGACAATCTTGACGAACTCCTTCCGATCTCCATCGAAATGGCGAAA  
AGAAACCTCACTGGAATATGGAACCTCACCAACCCAGGAGTGGTCAGCCACAACGAGATCTTGAGATGTAC  
AAGCAATTCATTGACCCCAATTTACATGGAAGAAGTCAATCTGGAGGAGCAAGCCAAAGTATCGTCGCCC  
CACGAAGCAACAATGAGCTCGATGCAACCAAGTTGAAGAACGAATCCCTGAGCTCTTGTCATCAAGGACTC  
TCTCCCAAGTATGTGTTCAAGCCAAATCAGAAAACCTCCACAGCTTAAAAACCCAGTGGTATTTTCTGCTCC  
ATATTTCTCTTCTTGTATTTTGTCTTTGCCATTTCCGTTGATTGCAATCTTTGGCGCCGAGCTCTTGAATATC  
AAATCTTTTCCCCTTTAGCATAGGACATAGAAGCTTGATTATGATCCATATTCGAATACCATATCTATTATTTG  
TTCTTATCATTATTGAATAAAAGTAGCTTGAAATGATCTTGTGTGGAGTTTCAATTTAGGCCATGTTATGGGGA  
GAACAAGATGTAGCATTTTGGTATTTGTAAGTGTGCTGATTTTGGGTCTAAAACATTATTGAGAAGTCTGTGC  
TTTATCAGTTATGGTTTCTATTTTGAAGATGAAAATCATCTTTAATGTAGTTGTCAATTTTCTCAACTGTTGCAA  
TTGCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAATCAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_396 AJ313509|Lycopersicon esculentum mRNA for protein tyrosine phosphatase (ptpkis1 gene)

GGGAAGAAATATCAATCACGGGAAGGCATATCCTCTGAGATTCACAGGAACGTGATCGAAACTATGCTGTGT  
AGCTACGTAAAGTGAACCAACGCGTTGATCGAACTCCAAAGTTTCAATACCTGCTTTAGAGCTCTGCTGATTTT  
GCTTCATCGTGCACCGGCGACCGATCGCATCGGCCATGAACTGTCTTCAAAACCTTTCAATATCATCTTCTCTTC  
CCTTCCGGAGCTTCAAATGCCGACAGAGAAAGCCTGAATTCAGCTCTCTAACCTGGTGATAAGGAACTTTAC  
TGATCTACATCGACGTTCTTCCATGAAGGCAGTGTCTGGTTCTACATCAAGTGCCGAAACGAGTGGTACAGAA  
GTGGACGATGCCGAGGAAAAGGAGGAAAAATCTGAAATATATAGCCATAACATGACAGAAGCTATGGGTGC  
TGTATTGACATATAGGCATGAGCTGGGAATGAACTACAACCTTCATTTCGTCCAGATTTAATTGTAGGATCATGCC  
TACAGACTCCAGAAGATGTTGACAAGCTCCGCGAGCATTGGAGTAAGAACAATTTTCTGCTTGACGCAAGATCC  
AGATTTAGAATATTTTGGGGTTGACATTGGTGCTGTAATAGCATATACAAAGACGTTTGATGATATTGAACATT  
TGCGAGCTCAGATAAGGGATTTTGATGCATTGACCTACGACTAAGATTACCAGCTGTTGTAAGCAAATTACA  
TAAAGCCATAAACCGAAATGGTGGAGTGGCTTACATACATTGCACTGCTGGACTTGGAAGAGCTCCCCTGTT  
GCGATGGCGTATATGTTTTGGGTTCAAGGCTACAACTCAATGAGGCGCTGAATTACTGCTGAGCAAACGCT  
CATGCTTCCAAAAATAGATGCTATTAAAAGTGCAACTGCCGACATACTTTCAGGATTTAAAAAGAAGCCTGTT  
GCTTTATCTTGGGAAGATGACCAATGCTCAACTGTAGAAGTAGCTGGACTTGATATTGGATGGGGCCAGAGG  
ATTCCATTAATAATTCGACGAGGCACGAGGTGCATGGATTCTCAATAGGGAACTCGCGAAGGACGATATGAA  
TACAAGTACATTATCGATGGTGTATGGACGTGCAACGAAAACGAGCTTGTCACTCCACCAACAAAGATGGCC  
ACATCAACAATTTTCATTGAAGTTGTTGAAGATGAGGATCCAGGCAGTGATAGAGCAATTCTTCGAAGAAGGTT  
AACTGGAGATGAACCAGAACTCACGGCTGAAGAAAGAAGCAAATAAGGCAATTTCTTGAAGCTTGTCCAGA  
TGAAATTTGAATGAAGGTATGTTGCATTCCAATATTCTCTAGATTTGTATTAATATATATATAATATTGTTCT  
GATAAAGATATCGTAGGGAAAAATGATATGTAATCAAAATCTAATAATAGTAGTAGAGTCAATAAAGAGAAC  
CAAGTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_397 NM\_129513|Arabidopsis thaliana PGGT-I; CAAX-protein geranylgeranyltransferase/  
protein heterodimerization (PGGT-I) mRNA, complete cds

ACTTGGCAACGCAGTGAAGGCAGGAGTCCTCCGGTCCTACGGAGGCGTCGCCATGGATTCAGATTCGAGCCT  
GCTTGAAGATTCCTCCACTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTTCTTCTGGTTTCGACAGAGATCGTC  
ATGTGATGTTCTTGGAGATGATGTACCAGTTGTTGCCTTTTCAATATCAGACTCAAGAGATCAACCACCTTACG  
CTTGCTTACTTCGTCATCTCCGGCCTTGACCTTCTGGTGCCATGGATCGTGTGGACAAGGACAAAATTGCAAA  
TTGGGTCTTGTCTTTCAAGCACTTCTACAATCAAGGCTGAAAACCCCACTGGAGAATTTTATGGATTCTGCG  
GATCAAGAAGTTCTCAGTTTCTCCAGGGGAGAATGGGGATTTAATTCACAACGGTAGTCATTTGGCGAGCAC  
ATATTGTGCCCTTGCAATACTGAAGGTTATTGGTTATGACTTCTCCAATATTGACTCTGAATCAATTGCAATCTC  
AATGAGAAACCTTCAACAATCTGATGGGAGCTTTGTGCCTATCCATATTGGAGCAGAGGCTGACCTTCGGTTC  
ATCTATTGTGCTGCTGCAATCTGTTATATGCTTGAGAATTGGAGCGGGATGGATAAGCAGAAAACTAAACCT  
ACATACTGAACTGTCAGTCATATGATGGTGGCTTCGGGTTAACTCCTGGCTCAGAATCTCATGGCGGTGGAAC  
GTATTGTGCTATTGCGTCTCTCCGTTAATGGGTTTCATTGAAGATGATCTTCTCTCCAGAGACAATCCTTCTTC  
CATAATAAACGTCCCATTGTTGCTGGAGTGGTGCTTGCAAGAAACAAGCAGCTGATGGAGGATTTCAAGGTCG  
ACCTAACAAGCTGCTGACACTTGTTACGCATTTTGGATTGGATCTACCTTGAGGATTTTAGGAGGCCTCGATT  
TCATATATAAGAAGGCTTTGAAGGCATTTTGTGACGTGCCAGTCAAAGTATGGTGGTTTCAGCAAGTTTCC  
GATGGATTTTCTGATTTATATCACTCCTACTATGGATTTACTGCTTTTAGCCTCTTGAAGAGCCCGACATCAA  
CTCTCTGTTTGTGAACTCGGAATAACAGATGTTTCTGCCTGGAGAATCTAACTCAAGAATGTTTGTTCGACAT  
TGGGATGAATCATTTTCACTGCTTTGCTGGCTCGATTATCATTCAATTCCTTCTTCTAAATCTTCACTTAGCCT  
ACACAACCTTATTACAAAAATGTAGAGTTTGATCTTTAGCTGTTTACCACTCCAGATAGAGCTTCATCCAGAAT  
CCTGGTTTGTATACTTTCTAAAATACATGTATCCCTTCTTCTGATTGTAATTTTATATTTAAGTTTTAAACACAAG  
ATCTGGTTTGTATCCTATGTTTCTTAAAGTTCAAGTAAGCGATTATATGTTTTTTCAGCNAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_398 HM462002|Gossypium hirsutum MFP mRNA, complete cds

TAAAACTATTGAAGCAAATCTCCGAGGCCTAGTTGTTAAAGGCAAGCTGACACAAGATAAGGCAAATAAAG  
CTCTTCTGATTCTTAAAGGTTCAATTGGATTATTCAGACTTCAAAGATGCGGATATGGTGATTGAGGCGGCTGTT  
GAGAATGTTCTCTTAAACAAAAAATATTTAGTGAAATTGAGAAAAATATGCCCTGCTCACTGCATATTGGCAAC  
AAATACCTCCACTATCGACCTCAATCTAGTTGGAGAAAAAACAGATCCATGGATCGAATTATTGGAGCACAT  
TTTTTCAGCCCTGCTCACGTGATGCCCCCTCCTTGAAATTGTACGGACAGAAAAGACTTCTCCACAAGTTATTCTT  
GATCTGATGACTGTCGGGAAAATCATAAGAAGGTTCTGTTGTTGTGGGAAACTGCACTGGGTTTGCAGTCA  
ATCGTGCGTTTTTCCCATATGTTTCAGGCTGCACAATTTTTGGTTAACTTAGGTGTTGACCTATTCAGAATTGACC  
GGGTGATCACCATTTTGGTCTTCCCTTGGGCCCTTTCAGCTTCAGGATTTAAGTGGATATGGAGTGGCAACT  
GCCGTATGGAAAGAATTTTCTGCTTCATTTCCAGATCGGGTTCTATTCTCACCTCTTGTTGACCTAATGAGGAA  
AAATGGACGCGACGGTAAAAACAACGGTCGGGGATACTATATTTATGAGAAAGGAAGCAGACCAAAGCCCCG  
ATCCTTCAATTTTACCAATTATAGAGGAGTCTAGGCGCATTGCCAACCTTATGCCCAGTGGAAAGCCTATTGCA  
ATTTCTGATCAGCAAATTTTGGAAATGGTACTCTTCTGTGGTAAATGAGGGATGTCGAGTGGTAGAAGAAG  
GAATCGTTGTTAGGCCGTCGACCTTAATGTTGCAACTGTTCTTGGAAATGAGCTTTCCTTCTACCGCGGAGGC  
CTCCTGTTTTGGGGAGATTTGTTGGGCCCAAACATGTATATGCAAGTCTCAAGAAATGGTCAGAACAATATG  
GTGATTTCTTCAAGCCCTCCAAGTATTTAGAAGAAAGAGCAGCTAAAGGCATACCTTTGAGCGAAGCCAATTC  
AGAAAATGCAGCATCGAGATCCAACTCTAAGCAAATAAGCTTCTTCTTTTCTAATAATTCTTCCCTTTCTTA  
GATCTAGCAATCGCCATTAGGATAAGCATCAAGAAGGGCTTTGTAATGCTTTTTACTTGCTTTGTTATTTTGT  
TTCCAAATGTTAGGTTTATGGTTTTCTTTTCTTTATTCTCTTTTGGTTGGTAATTCAGTTCAATGATGTGTGG  
GGTGGGGATTTTGAATCTTATCATGTGAAGGATCATCCATTGAACTTGAACTTTGGTAGTGTATTTAATCTC  
TCTAAAATAAAAAATAAAAAATAAGTAGAGGAGGCTAATAATTATATGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_399 AY094029|Arabidopsis thaliana At2g30700/T11J7.9 mRNA, complete cds

GGGCTAAGTTTGTCAAAACCTGATCAAATACCTTTTGTGTCTCATCCCCAGTCAAGTCCACTCTTAGTTGTATCT  
TGTTTTCTCCTCAGATTCTACAACTACTTTAGCATTCTTCAACGTTATTGCATTCCCTTTGTAATCTGTGAGGGC  
TGCCTCCAAACCTGAACTAGCTATGGACGTCGGTTTGACAAAAATCTGGAACCAATTCTATGGGAGCTATAA  
GAAAATGACGACCTCCTACACAAACCATCTTGATACATTATCAAATTCAACGCCACCAAAGTTCAAACAAACAG  
AGCATTGTGGCAATAGCCTTTAACAGAACTTTGGTGAATATTGGCCGCGGGAATTCTGAGGAGGCGATGTT  
GGTCACCGTTGCGGTTGCGGTTGCGGTGGCGGACATCATTTTTCCAAGCGCGGGTCGGCGGTCTTCTCGGT  
TCTCACGGAATAGAGACTTATCCGAGTTGTGATACGACCGCTTTCGGTTGGAGTTTAAATAGTTACAAACCA  
TTAAAAAAAAGGAAGAAGCGAAAACCACTGTTTTGAAAGAAACGGAGGTTAAGTTTGGGTGACAGTGGATA  
AGAGCGACGAGAGAGAGAGAGACAATGCAAATTGCAGCTGCCAACTTCTTCTTTCTGCAAAACCCCAAGGCT  
GTATATCATAAGCAGACAACAGATTACTTTACTCCAAACCTCACTTGACACAAGTGTATCTTTCCAGTCAAATT  
AAATATGGTAGCAGCAAAATTTCCCTGAGTAAAAATAACAGATATCTCCAGCTGCTTGTGCTGTGTTATCAGA  
AAATGCGAGTGTTCATCTTCTCAGTTTGAAGACTTCTCCGTCACTAATGTTACCAATACAACCTGAGAATAAAG  
AACTAAAGATTTCGTGTTGAGGTGTCAGGAACCAAACTCGAGCAATTTTCAACGTCGTGTTTGACAGAATGGT  
TGCTGAAGCCCAACCTATTCCAGTTTTAGAAGAGTGAAAGGAGGAAAGACGCCAAATATACCCCGAGACAT  
TCTATTAGAGATACTGGGACCTTCTAAGGTGTACAAACAAGTTATTAAGGAAGTTATCAACTCTACTGTTGCTG  
CATATGTGGAAGGAAGCTCTAAAAGTGGGTAAAGACTTGAGAATAGATCAAAGCTATGAGGATCTTGAAG  
ACCAATTTGAACCAGATGAAAAGTTCTTCTTTGATGCCATTATTCAGCTCAAGGAATCAAACCTGAACTACTAAA  
TTAACATACATCTTGAAGACCAACTTTTTGTTAACATACATTCACTCAAACCTCGATGCAATTTTGCTAGGAATCT  
CCAAATTAGGTTGGCCATTATTTTGTGTTTGGCAGAGGGTTATCATCAATTCAACCAAATGATAGCATGT



TGGAGCTTTTAACCAAGTAGTTTTTTCTTAGAAAACCTACCCTATTGGTTCGTATACTTTGAACATTTTAATATT  
GTACTTTCAATTT

>trans\_c\_400 NM\_001073626|Oryza sativa Japonica Group Os12g0573000 (Os12g0573000)  
mRNA, complete cds

AGTGATCGGAGAGCTTCTCAACGACTGAACTGTCTTCACCACCGCCTTCCTTAGAGCATCGCCCTTCTCATTCTC  
TCCCGGTGACGTCATATAGCCTCTACCTTCTTTGCTTCTCCATTTATCCGACGTCCTCTCTCCTTAGCTTTTG  
GTTTCCTATCGAAACAATCGATGGGTTGAGACGAGGAAGTTGTGGAAATTAGTAGTTTGGAAAGGGGTCTATT  
GTCGGAATGCAGCTCTGATTGGAACCCGAAAGCGATGATGAACCTGTGTTGTTGCAGCTTCCTTTCAAGAG  
ATGGAAGACAATTTTGTAAAGTATCATACAGCACAGTGGGTCTTTACCCCTTGCTTTTGATTTTGGCGTGGGG  
GATTGGGTTGTTGATGTTGCTTTATCTACCAGTAAGAAGATACATTCTGCGGAAAGATCTTCAATCGAAGAGG  
CTTTATCTTACGCCGAATTCAATAGTATACAAGGTTACAAGACCTGTACCTTTTCCATGTTTTGGAGTATTGAAG  
AAAGAGAAGCATGTTCTGTTGCCTTCAGTGGCAGACATTATAACTGAACAAGGATATTTGGAATCTCTCTATG  
GAGTTTACTCTATTAGGATAGAGAATGCTGGCGTGAGAAGACCACCTGGTGATGACGTTTCATATCCAAGGAG  
TTGCGGATCCAATTGCATTTAGAAAGGCTGTTCTAATGCGTCTTGCTGATATGAGAGATGATGGCAAACTTCT  
CAAATTTCTACAATTGAAGAAGTTTTAAATACAAAGAGAGTTCAGGCTTTGATTGAAGAAGCACGGTCTCAAG  
TATCTAACATTTTAGATTGAAATCTTTCATTGACAAAGTTTGCTTGCTCGAGTTTTGTGATCAGCTCCAAAATG  
GTGGAAGGCCAGTCCCAATTTTATGAGGATTGAAGCCGAGTATGCTGAAGAAAATATACTCCTAACGAGTAA  
GATTTCTTCTAAACTCTATTCTATGGCCGATGAGTCGTATCAATTACCATTTGTATACTGATTGAGGGCCTAAG  
GCTGTAGTTTTGGAAGAAATGTTCTAGTTTACTCTCGTATAGATGTATTTTTTACTGCTGGAACCACCAAAGT  
ATATATATGATATAAACATGGTTTTGGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAC  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCGAAAAATTTAACCAAGCCCCCACC  
CCCGGGGGGGGGCCCGGGACCCCATTCCTTAAAGGGGTGAAAAACCCCGCCACCGGGGGCCCTTTTAA  
CACCCCCCGGGCGGGGAAAACCTGGGTGTCCCAAATTAACGCCCTGTGAAACCTCCCCCTTCCCCCGTTG  
GTGGAAAAACAAAAAGC

>trans\_c\_401 NM\_120695|Arabidopsis thaliana chaperone protein dnaJ-related (AT5G06130)  
mRNA, complete cds

AGTTAAGCCAATCCTCTCAATCTTCTTCTCGGCAAAGACAAAAAATGGAAAGTGGAACCGTCAGTGTTAG  
GTAGGCACAAGAATGGCAAACGATTCTCAAACTAAATCCTTACAATCGCATCAGCCCTATCCCCTTCTTTTTTC  
TTCCAATTCTCCCTCGAAATTCCTTTCTTCTCTCTCTCTCTTTTGCTGTTTTCGATGTCTCTACCTTCTAC  
CTTCGCTCCTTCTCTCATTTTCCCCTCCAATTTACATTTCAAGCCCTCTCGCCATTGCAGAGCTTCAATTTTCT  
TATCCATCGACTATGGATGCTGCAAATCCCTCTATGCATCCTCTAGGAATACTTCCCGACGATCGCTGCGCATC  
TGCGCTTCTTCGTCCGATGGCGCGTCGGCTTCAGTTCCTCTGATAGTGATAAACTCCAGTAACTTTTGTATC  
ATAGAAGGACCGGAGACCGTTCAAGATTTTGTTCAGATGCAATTCCAGGAAATTCAAGACAACATAAGGAGT  
CGTCGTAATAAAATTTTCTTCTAATGGAAGAGGTTAGAAGATTACGAATTCAACAACGCTTGAAGAATCTAA  
AAGCTATCGATGAGAATGACAATGAAGAGGCGTATGAAATGCCTGAAATTCCATCATCTATTCTTTTCTTCCC  
CACGTGACACCTAAGACGTTGAAGCAGCAATATTTAACAGCTTGTCAGTTATATGGGGAATAATTGTATTG  
GTGGCTTTATTGCCCCAACTCTGGAGCTAAAATTGGGATTAGGCGGCACTTCGTACGAAGATTTTCATCCGCAA  
CATGCATTTGCCTATGCAATTAAGTCAAGTGGATCCCATAGTGGCGTCATTTTCAGGTGGAGCGGTAGGTGTC  
ATTTGCGCCTTGATGTTAATTGAAGCTAACAATGTTGAGCAACAAGAGAAAAAAGGTGTAAATATTGTCATG  
GAACTGGGTATCTGGCTTGCTCGATGTTCTTCCAGTGGCGTATGCTTAAATGTTGACCCCATCTCACTATCT  
GCTTCTTCTAGCCGCCCTTTACGAGTGCCCAAACTCAAAGATGTCTCAATTGTTCCGGTGCAGGAAAGGTAAT

GTGCCCCAACATGTCTTTGCACGGGGATGTTGATGGCAAGTGAGCATGACCCAAGATTGACCCATTTGACTAA  
GGTTAAACTTGTCAATTTGCATTGCAACTTTTTTTTTCTTCCAAAGTTTCCTTTCTGTGTTGTCACTTAAATATTGG  
ATTTGATATATATACATAGATACATATATATAAAGGTAGAAATGTTGGTAAGGTAGCACTTTAGAACCAAG  
AAACATTGTCAAAATGAGCATATCCAACATAATACTTATAATATCGGCTTTAAACCAAAGTGTTCGAATCTCCCC  
AAGTAAAAAAAGTGTTTATTAGAATTGATTAAACCTTTTGTATGCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_402 AF172681|Canavalia lineata amine oxidase mRNA, complete cds

ATGGATTTTGATGAACATTGGTATTTTAAGACATATATGGATGCTGGAGAATACGGATTAGGATTGTTGTGCA  
CGTCGTTGGTGCCATTGAACGACTGTCCAAGGAATTCGTATTATATGGATGGGGTGTGTTGTTGATGGAAATG  
GGAAGCCGTATGTTCAAGAAAATATAATATGTGTGTTTCGAGAGATATCCTGGAGATATCAGTTGGCGCCATAC  
TGATACCTTCTTCCAAATGCAAAGTCAGGAGAAGCTAGACAAAAAGTGACACTTGTAGCTCGCATGACATCA  
ACCTTGGGAAATTATGACTATATTATTGATTGGGAGTTTCAAACAGATGGTTTAATTCGTGTTGAGGTTGGATT  
ATCAGGGATGCTAATGATAAAAGCAACACCAAAAGAGTATACAGAAAACAAAGACAATGAAGGATTTGAACC  
ATTGGTATCAGAAAATGCAATAGGAGTGGTTCATGATCACTACATAACATTTTACCTAGACATGGATGTGGAT  
GGTGTGAATAATTCATTTGTAAACATCGATCTTGTTAAAGAAGAACAAGTTAACAAATCACCAAAATCCTCGCC  
AAGGAAAAGCATATATAAACCATATAAAAAAGTGGCTAAAATGGAAGATGAGGCTAAAATTATACTAAGCCT  
TGTTGATCCTTCAGAATTTTATGTGGTGAACCCAACCAATTGTCCAGATTGGGCAACCCATCGGGGTATAAG  
ATTGTCCCTACAGCCACAGCTGCTAGCTTGCTTGATTGGACGATCCTCCACAAATCAGAAGTGCTTTCACTAA  
TAACCAGATTTGGGTAACCTCCATACAACAAAAATGAGCAATGGGCGGGTGGGTTTTTGGCGTACCAAAGCAG  
GGGAGATGACACATTAGCAACCTGGTCTCAAAGAAACCGTCCCATCGAGAATAGAGACATAGTATTGTGGTA  
TACTTTAGGGTTTCATCACGTCCCATGTCAAGAAGATTTCCCGTAATGCCAATTGTGTCTCTAGCTTTGATCT  
AAAGCCCGTTAATTTCTTCGACAGAAATCCCATCTTCGAGCAGCCCCTGCTTCGTGGATGACTTACCTGTGT  
GTAATGTTTCGATCTTCACTAACTTTTAAGGATGTCTTATTGAACTTAGCTTTGTAGTTTTTGGAGTTGGAGTTT  
CCGTTACTTATCTACATAGTTACTATGTTAAATAAAAAGGTTATGTAAAGGCTCTATTTAGGTTAATGTACCTAG  
AACCATGAAAAATAAAATGTATTAATTAGTTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCA  
AAAAATTTTTCAAACCCCCCAGGGGGGGGGGGGACCCCATTTCCCCAAAGGGGGGCCAAATAACG  
CCCCCCCCGGGGCCCCCTTTT

>trans\_c\_403 NM\_001051979|Oryza sativa Japonica Group Os01g0957000 (Os01g0957000)  
mRNA, complete cds

GATCAGGTGGGTGTTCTCTAAATTCAACTGAAATTTACATTTCAACCGAATGCTCCTCCTCTGCTGCTGCTTC  
TGCGGCCATTTTACGCGGTTTGGAGTTGAAGGAGAGCTTAACGAGGGGATAGGGGTTGGGATTTTCTTTTT  
CTTCTGCTTCTTTTCCCTCTCTGTTTAACACCCATGGCTCCCAGCAAGTTTAATTCCTCTGGAGAAGGAACTT  
TTCTAGCCCCATGGCAGAGAATGGTTTTCTAAATTCAACTTCTCTGTTAAATTCTGAGAAGGCTGTCCAGGAAC  
TTCTTCAACGGTCTCCACTGATGGAGACTGATGATCACCTTGTTGAGTTTTCGGAGGCCCTGAGAACTGTTGCA  
AAAGCATTAAAGAAAAGCAGCTGAGGGTAAGGCTGCTGCACAGGCCGAGGCTGCTGAATGGAAGCGCAAATT  
TGAAGTGGAGAGGACAAGAAATCTTCAACTTGAGTACAAAGGTGAGTCACCCACCGAACGCAATGGGTATGA  
TAATAAAAGGTCAAGGAATCTGCCTCCACAAGCCACAGAGCAATCAGAGTGGTGTGTTGTTGGGTTAAATGGAAT  
ATGTTCTCATGAAGTTCTTCAAGACGGGGACATTGATTCTGTTTCTCAGAATGCTTCCAGAAAATATACGAGAA  
AGGCATCATTTAACTTTTATGGTGCTGCAATGGCGATCATAGTATAGACACAAGCATGATGTCGTCTCTTTT  
GAAAAAGGAAACATAACAAGTGCAGAGCGTAGCAGTAGACAGATTTCTTTGAAATGGGAATCTCAACCTCAG  
ACTGTGCTTATATTGACCAAACCAAACTCAATATCGGGTCAATGATTTGTTTTGAGATGGTTAAATGGTTGAG

AGAATATACATCTTCAAATTTACGTTGAACACGTGTCAAAAATGAGCTTCTGACTGAGTCGGACTACTACAAT  
TTTGTCCAGACATGGAAAAGCGACGAGGAAGTTATGGTTCTCCACACTAAAGTTGACCTTGTTGTTACTCTTGG  
TGGAGATGGAACAGTGCTTTGGGCAGCATCAATGTTTAAGGGACCAGTTCCTCCGCTTGTTCCATTTTCTTTAG  
GGTCTCTGGGTTTTATGACTCCTTTTACAGTGAGCATTATAGAGAGTGCTTGGATTCACTTCTAAAGGGTCCA  
ATTAGTATTACATTGCGACACCGACTGCAGTGCCATGTTATTCGAGATGCAGCAAGAAATGAATATGAAACGG  
AAGAGCCTATACTTGTGCTGAACGAGGTTACAATTGATCGTGGAATATCGTCCTACCTTACCAATTTGGAATGC  
TATTGTGACCGTTTCTTCGTAACATGTGTCCAAGGAGATGGACTGATTCTATCAACTACTTCTGGCAGCACCGC  
ATACTCTTTGGCAGCTGGGGGATCAATGGTTCATCCTCAGGTTCCCGGCATTCTATTTACACCATATGCCACA  
TTCCTTGTCTTT

>trans\_c\_404 NM\_105770|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase family  
protein (AT1G71010) mRNA, complete cds

AGTTCAACTACATCTTATATCTCCGCATCTCATGCTCCTGAAGGCGTTCGCCTGTTGCTTCTCAAACCTGGCAAT  
AATGATATAGTTATTGCTGTTTATGACAATGAACCTACTAGCATTATTGCGTATGCCCTAAACTCGAGAGAATA  
CGATGATTGGGTTGCCGATAAGTTTTCCGTCAATGAGGGAGGCCGGAGTGCCCTAGAATCAATATAGAAGA  
TTCTCGTCCTCACCTCTTTCAGCTTGGCAGTCTTTTGGTGGTTTGGACTTGGACTATATCCACTATGGAAACTA  
TGTTTCTGAAGATTCTTCAACCATGAGGACCCTGTTTTAGATCCCAAAAATCTCCCCATTTGAGGCTTTCGTTT  
GTAGATGAATCTTCAATATCTGGGGGTAAAGTCAAATTCTCTGTCACTTGCTACTTTGCAAAGCAATTTGACTT  
GCTTAGAAAAGAAATGCTGCCCAAGGGAGTGGATTTTGAAGGTCTTGAGTCGCTGTTGTGCTGGAGTGC  
ACAGGGTGGAAAAAGTAATGTTTATTTTGCCAAGTCATTGGATGAAAGATTCATCTTAAACAGGTCACAAGG  
ACTGAGCTTGATTCTTTGAGGAGTTTGCTCCTGAATATTTCAAGTACTTGTCACAAGCTTAACCTATGGAAG  
TCCTACTTGCCTTGCAAAAATTCTTGGGATCTATCAGGTCACTGTAAACACCTGAAAGGTGGGAAAGAAATG  
AAAATGGATCTGATGGTGATGGAGAATCTTTTTTTCATGAGAAATATCTCAAAGGTGTACGACCTCAAGGGCT  
CTTCACGATCTCGTTACAACCCAGACACATCTGGGGCTAACAAAGTCTTCTCGATCTGAACCTCTTAGAAGCA  
CTGCGGACGAAACCCATATTTCTCGGAAGCAAGGCCAAAAGAATCCTTGAACGAGCAATCTGGAATGATACAT  
CTTTTTTGGCGTCAATAGACGTTATGGACTACTCCCTTTTGGTTGGGATTGATGAGGAGCGTAAGGAGCTCGT  
TTTAGGCATCATCGATTTTCATGAGGCAGTATACGTGGGACAAGCAATTGGAGACGTGGGTGAAGGCATCGGG  
AATACTTGAGAGTCCGAAGAATGCTTCTCCTACTATCATTCTCCGAAACAATACAAGAAACGGTTTCGTAAGG  
CAATGACTGCTTATTTTCTCACAGTTCCTGATCAATGGTCTTCTTGATTTTATGATGGATCATTGTATTCTTTGT  
CCATGAAGCATTGTTCGTGAATAAAGGGATTGCAATTGCAGATAAATTTGAAGGAATCCCTCTCATTCTTTTC  
TTTTTTACCCTTCATCACTTAGATTTTGTGTACAAAGAAACAAAGATTAGGTCCGAAAGAGAGGGCATTACCC  
TTGAGAATGAAGAGTTGTACTTTTTCTTTTCTAACCTAATGAAAAAAGTTATTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_405 EF405964|Populus trichocarpa abscisic acid responsive elements-binding protein 2  
(ABF2-1) mRNA, complete cds

TATTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAGAAAAGTAAGCTCTCAAATCCTCCATTTAAGCTCAGATCTCTGGGTGA  
GACACCTGTGACTCCACCAGCCTTAAGAAAGAAGGGTCGCTCAGTTCGAAGTCACTGCCAATTTTCTAAAA  
ATACCCAACCATTTTCTTAGAAAAAGGGGGGAAAAAGGAAAAATTTATATTAATAAATAAATAAAGG  
TTTTCTTCATTCAAGTTGTAAGAGAACTGAGATTGGCCAAGATAAAAAGGAACATACTCGAACTATTACTCGA  
GAAAGAAAAATTTTCGAGGCAGTTGCTGTGTCCACACGAGTTGAACTCTCAAATGAATTCAGAACTTTGAG  
GATATCCCACCAGGAGAAGGCCCTATGGCTAAGGCGCAAGGAAATTTACATTGACTAGACAGCCTTCCATAT  
ACTCTTTAACCTTTGATGAATTTGAGAACACTTGAATGGACTTGGAAAGGATGTCGGTTCGATGAATATGGA  
TGAACCTCTTAAAAACATATGGACTGCTGAAGAGTCTCAGGCTGTAACATCTGCAGGTGCTGCTCCGGGCGGA

GCTGGAATCACCAATGGTGGGAACTTGCAGAGGCAAGCTTCGTTAACTTTACCCATGACCATTAGTCAGAAAA  
CGGTTGATGAAGTTTGGAAAGACTTGAGTAAAGAGAATACTAGTGTTAACGAAGGAAATGGAATCGAACCAA  
TGCCAGCTCGACGACAACCAACATTAGGGGAAGTGACTTTGGAGGAATTTTAGCTAGAGCAGGAGTGGTAA  
GAGAAGAACCTCAACATATTGAGGAGCGGCCATTTAACTGTGGATTTTATGGTGGATTATCAAGAGAAGACA  
ACAATGCTAGTTTGGCTCTTGGGATGTTGATGGGAAATCAGATAACTGAGAACAAAAATATGGTTTCTAATCA  
GAATCAAAATTCAGTGTTTTAGGAACAGGAGTTGTAAGGTCTTCTCAGCCGAGCAGCAACAGCAGCCACTT  
TTCCCAAACAGCTAATGTGACTTTTGCTTCTCAATGAATTTAGTGAACACTCCCCAGCTTACCAACGGATCT  
GGGACTAATATGGTTGTGGCCCCAAACCTCCTTGCATGATGCTTTAATTCAAGGCACGGGCATTGGTGCGA  
TCGGCTTAGGTACGAGATGTGTAAGTGTGCTTCAAGATCTCTACAAGTACAATATCATCTGATGTGATTACA  
AAAAACAGCATAGAGACGTCTTCATTTTCATCCGTTCCATTTTCATTTGGCCGTGGTCGGCGAAGTAGTGGA  
GCTCTAGAGAAAAGTGGTCGAGAGGAGACAACGAAGAATGATAAAGAATAGAGAGTCAGCTGCAAGGTCACG  
GGCTCGTAAACAGGCTTACACCTTGAAGCTTGAAGCAGAAGTTGCAAACTCAAAGAAATGAACCAAGAGTT  
GCAGAAGAAACAGAGAGTGATAAT

>trans\_c\_406 FJ882980|Fragaria x ananassa blue light photoreceptor mRNA, partial cds

AAAGCTATCCAGAAGATTTTGGACAGCGGAGAACAGATAGGACTGAAACATTTCAAGCCAGTGAAGCCTTG  
GGATCTGGTGATACTGGCAGTGTGCATTTGGTAGAACTGTGTGGGACTGATCAATACTTTGCAATGAAGGCA  
ATGGATAAGGGTGTCTGCTCAACCGCAACAAGGTGCATAGAGCTTGTGCCGAAAGGGAAATACTCGACATG  
CTGGATCATCCTTTCTCCTGCGTTATACGCTTCGTTTCAGACAAAAACACATGTTTGTCTTATAACTGATTACT  
GCCCTGGTGGAGAAGCTCTTCTGCTTTTGGACAGACAACCCACAAAGGTCATAAAGGAAGATGCTGTTAGATT  
TTATGCTGCTGAAGTTGTCGTGGCATTGGAGTATCTCCATTGTCAAGGGATAATTTATCGAGATCTAAAGCCTG  
AGAATGTTCTACTCCAGAGCAACGGCCACGTTGCCTTGACGGATTTTGATTTGTCATGTTTGACTTCTTGTA  
CCTCAGCTTTTGCTTCCAACAGCAAATGAGAAGAAAAACAATCAAAAGCTCAACAGACTCCGATCTTTATGG  
CCGAACCAATGCGAGCTTCGAACTCCTTTGTTGGAAGTATATAGCACCAGAAATCATTACTGGGGC  
TGGCCATACTAGTGCCGTGGACTGGTGGGCTTTGGGCATCCTTCTGTATGAAATGCTTTATGGATACACACCT  
TTAGGGGGAAGACAAGGCAAAAGACCTTTGCCAACATTCTCATAAGGATCTTAAATTTCCAAGAAGTATATC  
GGCTAGTCTCAATGCAAAGCAGTTAATTTTATAGTTATTGCATAGAGACCCCAAAATCGATTAGGTTTCTCGA  
GAAGGAGCCAGTGAAATCAAACGACATCCTTTCTCCGAGGCGTCAATTGGGCGCTCGTCCGTTGCATGAATC  
CTCCGAGCTCGAAGCGCCTCTTTCCAGACCACTGATGGCGAAAAAGATGCTAATAAAGCATCAGATTTTGA  
TCCAAAAGAACTTGAAGTCAAGTGTCTGATCGGAAGTGTGCTTGTGTTCTGGCTTGTGTTTCAAAAGAA  
ATGGTTCTCTTCAGATAATTCTTTTATGGTTTCTTTGTTTATGATCAAAATCACCTTCGAGTTGTGCAGCATTGT  
GGAGCGTTGGAAGCTTGTGAATTTTTTAGGATTAGGGCTTTAAATTTAGTGTTTATTTAATATTACCAAT  
GTAATAAGAATGTTTTGTAGTGTATGTAATGGTGGGATAATCTTTAGCTCTTGCTTGTGTTTTGAATAATTTG  
TTCTGTCCAGTGTCTGGGTTATTTTTTATAGATTGCCATGTGTTAATTTATGTGGTCTTTCCATGTAACTATA  
TATATTTTTTCTGTGTAGAGTCCATACGATAATCTGTTTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_407 AF227913|Arabidopsis thaliana diaminopimelate decarboxylase mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATCCAGTAAGAAATTTCTTAGCAATGGCGGCCACAAATCTCTACTCTCCTTCTCCTTCCCTTTCCAGCACCTCA  
AACACTCTCTCAACTCAAACCTTTTACCAGTATTCCATTCGCTTTCACAAACCTTTCTCAAACTCCCCTTTCC  
CTAAAAGCTGTTCTTTCTCAAAACCTTCTAAAACCCAGACCCAATTTAGCATTGTTTCTCAAATCCTCAGAT  
GGGTTTCTTTATTGCGAGGGAATTAAGGTGCAGGACATCATGGAATCTGTTGATAAACGCCCTTTCTATCTTTA  
CAGCAAACCCAGATAACTAGAAATGTTGAAGCTTATAAAGAAGCTTTGGAAGGACTGAATTCCATCATTGGT

TATGCGATTAAGGCTAATAATAATTTGAAAGTGCTGGAGCATTTGAGGAAGTTGGGTTGTGGAGCTGTGCTT  
GTTAGTGGAAATGAGCTTCGTTTGGCTCTTCATGCTGGTTTTGACCCACCAAATGTATTTTAAATGGGAATGG  
TAAACTTTTGGAGGATTTGGTTCTAGCTGCGGAACAAGGTGTTTTGTCAATGTGGAGAGTGAGTTCGACTTG  
GATAATATTGTAGCTGCTGCAAGAATTGCTGGAAAGAAAGTTAATGTTTTACTTCGTATTAATCCGGATGTGG  
ATCCTCAGGTACATCCTTACGTTGCCACCGGTAATAAAACTCCAAATTTGGTATCAGGAATGAAAAGTTGCA  
ATGGTTTCTGGATGCTGTTAAGGCACATCCTGATGAACTTAAGCTTGTTGGGGCCCATTGCCATCTTGGGTCCA  
CCATCACCAAGGTGGACATATTCAGAGATGCTGCAGTATTAATGGTCAACTACATTGACGAGATCAGAGATCA  
AGGTTTTGAAGTTGATTACCTAAACATTGGAGGTGGACTTGGTATAGATTACAATCATGCTGGAGCCATTCTTC  
CTACTCCTAGAGATCTCATTAAACAGTACGAGAGCTGGTGCTTTCGCGAAATCTTAATCTAATCATTGAGCCT  
GGGAGATCAGTGATTGCCAATACTTGCTGTTTGGTGAATCGAGTGACTGGAGTCAAAACTAATGGGACTAAA  
AACTTTATTGTAATCGATGGAAGCATGGCTGAGCTTATCCGCCCTAGTCTTTATGATGCTTATCAACACATAGA  
GTTGGTTGCTCCTACGCCACCTGATTCTGAGATCTCGACTTTTGATGTGGTTGGCCCTGTCTGTGAGTCTGCAG  
ATTTCTTAGGGAAGCAAAGGGAAGTCCCAACTCCGCCCAAGGGGGCTGGCTTGGTTGTCCATGATGCTGGTG  
CTTACTGCATGAGTATGGCATCTACTTACAATCTCAAGATGCGTCCTCCAGAGTACTGGGTTGAAGAAGATGG  
ATCAGTGTCCAAATCANGCATGGTGAGACATTTGATGATCACCTTCGGTCTTCGAGAATCTTTGATCGGAA  
ATTTGAGTC

>trans\_c\_408 NM\_001054119|Oryza sativa Japonica Group Os02g0649700 (Os02g0649700)  
mRNA, complete cds

CAGATGTCTTAGGCCCTGCTCTTCGCCGACCTGGAAGATTTGACCGTGTTGTTATGGTGGAACACCCGACAG  
AACTGGAAGGGAGGCAATTTTAAAAGTACATGTTACCAAGAAAGAGCTCCCCCTTGAGATGATGTCAACCTC  
AGTGATATTGCTTCTATGACCACAGGATTTACTGGGGCAGATCTTGCAAACCTGGTTAATGAAGCTGCTCTTTT  
GGCTGGAAGACAGAACAAAATTGTGGTAGAAAAAGATGATTTTATTCAAGCAGTGGAGAGATCGATAGCTG  
GCATAGAGAAGAAGACCGCCAAATTGCAAGGAAGTGAGAAGACTGTAGTTGCGCGACATGGGGTTGGTCAT  
GCAGTTGTTGGCACAGCTGTTGCAAATCTTCTACCTGGACAGCCACGTGTAGAGAAATTGAGCATACTACCAA  
GGTCAGGAGGAGCACTTGGGTTTACCTATATTCTCTACAAATGAAGATAGATATTTGCTTTTCATTGATGAA  
TTGCGTGGGCGTTTGGTTACACTTCTGGGATGACGTGCAGCAGAAGAAGTAGCCTTTTCAGGTTCGTATTTCAA  
CCGGTGCACTTGATGATATCAGACGAGCAACTGACATGGCGTACAAGGCAGTGGCTGAGTATGGTCTGAACC  
AAACAATAGGCCCCGTGTCAATGGCAACACTCTCTGGTGGCGGGATTGATGAGTCTGGGGGAGCTGCCCCCTT  
GGGGAAGGGACCAGTTCTTAATTTCTCTACAGTTTCTTTCTAATATTTAATTTAATTGTATATGTTTCTATGCT  
GTCCATATTCATTATAATATATGCAGCAGGGACATCTTGTTGATCTTGTTCAAAGAGAGGTTAAAGCATTGCTA  
CAATCTGCCCTTGAGATTGCGCTTTCAGTTGTGCGTGCAAATCCAGATGTCTTGGAAGGTCTTGTTGCTCATT  
AGAAGAAAAAGAAAAAGTAGAAGGCGAAGAACTACAACAGTGGTTGAGAATGGTTGTTGCACCAAAAGAAT  
TGACCATCTTCGTAAGAGGCAAGCAAGAATCCCTTCTCCAGTACAGTCAGTGAAGTCAAGCCCCGGCTTCATA  
GCCCATAATGTATAATTCTTGATACTTAGAGTAAACCAAATCTCGGCGCATTCTTTACAAGAAAGATAACTGT  
TGGATGTGTCATCTCACAACATGGCAGAAAAAATAGGTACAAAACAAAACAGCCGCCGAGCTGCCTAAGCT  
CCTTGTTTTCAAGCTGTGTTCCAGTATGTTGCCATGTCAACTTTAATGTTCTCAATCAGCTATGCATTGGCCACA  
ATTCTAACAGTATCCAACCTTCATATCTGTAATTTATTACCCAGCTGTGTACACCCTACTGTACTGTAAATATATA  
GCATTTCCATAAGTTACAATGTATGAAGGTCTGGGTGATTTTTACTACATATACTCTCNAAAGTTGTCAGTCGT  
TCATCATTTACAGAAT

>trans\_c\_409 NM\_111576|Arabidopsis thaliana PDE320 (PIGMENT DEFECTIVE 320) (PDE320)  
mRNA, complete cds

AGAGTTTCATGGTTGCTCCTTTTGTTCCTTCTTATTCCCCCTCCCATGGCTTCTCTCTTCAACGCGTCTTCTCCATA  
CCCTTTTCAGATTCTGGCTCCATTACTCTCTTAGGCCAGTTCAATTTACAGAAATTCATGTCCTCTCTGATGAAA  
ACTGGTTCTGGAGAGATGGGTCAGTCGTTTTCTCATTACATAAATGTATTGGAAGGCATCTTACCAACGGTC  
TTTGTATGCTGTGGGTATCTCTGCTGATATCTTGTTACCACCCGATGATTCCCTGATGATTAGCTTCGATGGATA  
TGGTGACAGTGATATAGTTCGAACAAAAGCAGTATTTACCCGCAAGTTCCTACATCATGATCTAACAATGGAG  
GCACTTTCTCCAGGACTTTTTATGGACAAATCTGGAAGATATTGGGATGTGCCTTCTTCATTGGTTGTTGATCT  
AGGCTCTGCTGCTTCCGATTCCGGTTTGAGTTACCATTGTCTATGCACCAGAATACTGGGTTTCCCTCACCATT  
GGGAAGTGAACCGACTCATTCTGCTCCTTTCTGTTATTTCTGGTCTATCAGCCAAGGCTGCTTTTGCCTTTAA  
GAAGAACTTTGAAATCTGGCGAAGCAATGCCAAGAAATTAAGATGGTGCAACCGTATGACATTTTTCTATCA  
ACTCCTCATGTTTCATTGTCAGCGATCATTGGTGCTGTAGCTACTTCTACTTTGGAGACGATTGGTTAGATCA  
GCAGCACAAGGAAGTCTTGCGGAATCAAAGGATTTTACATGCAGACTTCTAGAATAAGATCTACTATTTTCG  
CAGATTTATTCACTTCTATTTCTTTTTCAGCTCAGTATGGGATGTTTCAGAAGAAATATCTGGATCTTACCCGAT  
TTTCCGCTTGATGGATTTCCATTCTGGCTCTAAGTTTCTTTCAGGATCCATGCTTTTGATAGATGATCTTTCCAA  
CTCCCGGCACCCAAAACTGAAGCTGTGAAAGCGACCTTGCCTAATGCAAGATTTTCCATTGAGCAACAGATT  
GCTGGGCCTGTGAGCTTTAGAGCAGATTGAGGAGTTGCAATAGATTTGAATAAAGCAGGGTGGGATTTATTAC  
GAGTGGATGAGCCTACATTTGCCTTGAATATGCGTTGCAAGTCCTTGGTTCAGCTAAGGCCATTGCTTGGTA  
TTCACCTAAGCATAGAGAATTTATGGTAGAGCTTCGTTTCTACGAGACCTGAGGCCGTTAGGTGACCAATCTTC  
TCTTTTATTCGTTCAATAACATTGGGTGAACTCATCAGGTGATGGATTAGATTTTTGACCTTTTAAATTGAGAAT  
ATATATATATGTAGTCAAATGAGTTATCCTCAAGTGGATGGTTGAAAAACCTTTTGATTTGATGATATGAAAAC  
ATTATATACAATGATTTAGCAACAAGCAATCATAATTTGCGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_410 AB046870|Arabidopsis thaliana AHK3 mRNA for histidine kinase, complete cds

TCATGAGTGTGGGGATCAAGGGTAACCCTCGCAACGGAGAGCTTCCTGTTCTCTCACTCCGCAATTTACTTCTT  
GGTCAAAAAATTCTGGTAATAGATGACAATAAGGTGAATCGTATTGTCGCTGCTGGTGCTCTACAGCGATATG  
GAGCTGATGTGGTATGTGAAAACAGTGGACGAGATGCAATCCGACTGCTTACGCCACCCCATCATTTTGATGC  
TTGTTTCATGGATATTCAGATGCCAGAAATGGATGGGTACGTGATAAATATACATTCTTTTTCTCCTCCTTTTG  
AAGAACTTGTAGCGATAGGAATGTATTTTTTCATATATATTTTTTTTCTTTTAAGAAGGAAGAAGAAAAGGAAA  
GAAACTTGATTTGACAGTTTCTCAAACCTTTGAGTTATGATCATTGAACATACATAAATGAGCTGATCACTTG  
AGTGATTAATGTTCTGCTTCACAGCTTTGAAGCTACAAGAAGAATTCGGGAAATTGAACATCGAATCAATGAT  
GGTATCCAAGTCGGAGAATATCAAAAGAAGCATACGAGAATACGTGTTATTGGCGTGTACCCATCTTGCCCA  
TGACAGCAGATGTAATCCAGGCTACACATGAGGAATGTCTTCGATGTGGGATGGATGGGTACGTTTCGAAAC  
CATTTGAAGTTGAGAGACTTTACCGAGAAGTTTCTCAATTTTCCACAGTACCTCAAATGGAACCTTTATAGAGA  
GCAATCGTATAATCCGAGATTGCCAATGACATTGGCCTGTTGAGTCAGGAATGTACAGCATGCTTAAAAGGGT  
GTAGATTACCGCCGAGTAATCGAAGGTGAATCGACTTCTTGATTGCTTCATATTATGCCAGGCAAGCCTAGA  
TTTTGTGGAAGAGTGTAATAAGTAGACAGACATGAGTGGTCAGGTGGAGTTCTCGTCACCCGACGAATGAG  
AAACGTCGCTATATTTTTTCGAAGGTCAGAAATTCAAGATTTATTTGGAAGCGGAATGATTCATCAGGGACTTT  
CTTATATGAAAGTAATAAAGTCTCTGTGGTTGCAATCTTTTTTCTATATTTTATGATCATCCTACAAGTTG  
CTCATCAAAGGGATCAAGAAATGGCAGTGTAGATATCAATTTGGATGGAGGAAGAATGTGGGGTGGCAACT  
AGAAGAAAAAAGAAAAAGCTTTGTATATAAAAAATATGTTTGATTGTATTCTCACAACCTTTACTTTTCTCT  
CTTTTCTTTAGCTAATTTTGTGTATACTTTCTATTTTCAGATGAAAATAGGACAAAAACTTCACACACTATAA  
GATTTGAACAAAAAATGATAATGTACATTTCTGGTGACAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAA  
AAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAA  
AAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAAAGGCCAAAAA

>trans\_c\_411 AM746109|Populus trichocarpa mRNA for D1-type cyclin (CYCD1;1 gene)

CATCCAAGTTCAATTTCCATCCCATCTTCATCCACCCCCACACCCACAGTCTTCCCTTTTTCTTCTTCACCTGAATA  
CTCTCGCGGTGTCTCCGGCTGTCTTTTCTCAATTGGATGGGGATGACCATGCTGTCTGAAAGAGAATGAGGGA  
TACTAAATCCCGATCATGTCCATCTCTTCTTCCGACTGCTTCTCGACTCTCACTTACTCTGTGATGAAGACT  
CCTCCGGTATTTTGTCCGGAGACTTGCTGGAGTACTCCTCTGACCTTGAATCGGCGGCCAGCAGTGAGGACTC  
TATCGCCAGTTTCATAGAGGACGAGAGGCACCTTTGTTCTGGAATTGATTACTTATCGCGCTTTCAGTCTCAAT  
CGCTCGATTCTCCGCAAGAGCCGATTCTGTTGCATGGATTCTCAAGGTTCAAGCATATTACGGTTTTCAACCA  
CTCACTGCATACCTTTCCGTCAACTACTTGGATCGATTCTTTATTCTCGCCGCTTGCCGGAAACAAATGGGTG  
GCCATTGCAGCTTCTTTCAGTGGCTTGTTTATCACTTGAGCTAAAATGGAGGAACCCATTGTTCTTCATTCTG  
GGATCTGCAGGAACATTTTCCAGTTTTCTCAACTCACGCTCCACGGAAATTATTCTCTCCAATATTCGAGACGCT  
ACTTTTCTTGAGTACTGGCCTTCTGCATTGCTGCCGCTGCTTACTTTGTGCGGCAAATGAAATCCCAATTTG  
ACCCTCTTGAATCCTGAACATGCCAGTCTTGGTGCAATGGACTCAGCAAAGATAAAATAGTTGGGTGCTATC  
GGTTGATGCAACCGTTGACATTGGAGAGTCGTCGGAGGAAAGCACCGAAAGTGATACCGCAGCTCCGAGTG  
AGAGTCCGAGCTGGGTTGAGATACAGTGACTCGTCATCCTCTTCGTCCTCATCAAGGTTACCTTTAAAAGGA  
GGAAGTTAAATAATTGCGTGTGGGTAGAAGATGACAAAGAAAATTCCAAGTTCAGAGCAGACGAATAATAAT  
AAATATAAAAAGAGAGGAAAAAAAAGGGTTTTGGGTTTTGATGGGGTTTTCTTGCGGTGGTGGTCCAACTA  
CTTATCTTCAAAAAAGAAAAAGAACCTTAAATTTACATAATATATAATTTTCAGAGAGAGGGAGAGAGAA  
AAGGATGAAGGGAAATGTATCAAGAGTTTTTTTTCTTCTTTTGGGTAATTTCCAAAACCCACTACAGATTAA  
AAAAAGAAGAGAGAGAGAGAAATAGAAAATAAAGAGAGGAAATTCTCTCGGTTGGGTTTTGCAGATTCCCA  
AGGAAACAAGGAGAGGTTTGGTTGTTGTTTGTGTAGATATTATTTGGTGTGAGAAAAAAAATAAAATAC  
AAAGAAAGAAAGAAAGAAAGGAAGGAAGAAAAGATTAATACATATTTATATTTGTTTTGTTGAAGAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_412 XM\_002325025|Populus trichocarpa porin/voltage-dependent anion-selective  
channel protein, mRNA

AGAGGGAGGGGGCAGCCGACAGTCAACACCATAAGAGAGAGAGAGAACGACGGCGGTGGTGTTTTTTTGTT  
CGGCGTTCACGGCGAAGCTCGACGGCGTCCTTCGGCCATTACAGCGACGGGCGGCGACGGTGTGTGTTGGG  
CAGTGTGTTGGGCATCAGTTTTTCGGGGTTTTTGGGTCACGGTCGACGGGGAGTGACGGCGCGTTCCGACGGC  
TTTTGCAGCGTTGAGTTTACGACAGTTTGAGCACCGTTTGTGGTCAGTTCCGACGGGTTAAGGTCTCAGATT  
AGAGGGTATTTCGCGGATCTCTCATATTCTTGGCGTTTGTGTTGACGGAACGTACGAACTTTGACTATTTCTG  
AATCATGGGCAGTTCTCCAGCGCCATTTTCAGATATTGGCAAAAAGGCCAAAGACCTCTTAACCAAAGACTAC  
AATTTCGATCACAAGTTTACCCTGTTGCTACCGAACTCCGATGGAATGGGACTAACTGCCACCGGTTTGAAGC  
GGGATCAAATTTTTATTGGTGATATCAGTACCCTGTACAAGAGTGGAAGACAACCGTGGATGTGAAAGTTG  
ATACGTATTCAAACGTTTCTACAAAAGTGACCGTGACTGATATTTACCAACTACCAAGGCCACGCTTAGCTTC  
AGAGTACCTGATCACAAGTCGGGCAAGCTGGATGTTCACTTCCACCCTCATGCAGCTATTGATTGAGTA  
TTGGTCTCCACCCAGTCCACTTTTGAATTTTCACTGCAATCGGTAGCAAGAATTTTAGTTAGGTGGTGAT  
GTGGGATTTGATACTACTTCTGCTTCATTCACAAAATACAATGCCGGAATCAGCTTGAATAAGTCAGACTTTTC  
TGCGGCTCTTATGCTAACTGACAAAGGACAGGCTCTGAAGGCATCTTATATTCATTGATGATCCTCTTAATG  
AGACTATGGTAGCGGCTGAAATGACTCACAAGTTCTCCACCTCTGAAAACCTCTTACCATTGGAAGTTCTCAT  
GTTCTGGATCCAGTTACGCTCATGAAAACAGATTCTCCGACAAAGGAAAAGCAGCTATGCTTTTCCAACGAG  
AGTGGAGGCCAAAATCTTTGGTGACTCTGTGAGCTGAGTATGACTCAAAGCTATCGATTCATCTCCCAAGAT  
AGGCCTTGCTATTGCTCTGAAGCCTTGAGATCTAAAGAACCAACAAAACCATTCAGTGAAAATTGACCATAA  
CTTTGGTGTGATTATAATTTTCCCAAAGCATTCAATATTCATTGTGGAATTTCAAAGTTTGTGGAAGAGGA  
GGTTTTCTTCATGTAATTCATGAGATATTATTTGAGGCATAACTAGGATTAGAAGAACCAATTTTGAAAAAG  
AAAAAATCAAGGGTTTTGAGGAGCAACATTATTTGCTTGCAAGGCCCATGTTGCCATCCAAAAA

>trans\_c\_413 AY058185|Arabidopsis thaliana AT5g54540/MRB17\_4 mRNA, complete cds

AAAGAAAAAGACTCAAAACTTAAAGCAATGACTTCCCTCTGAAGTTTCGATCTTCCCGTCTTGCCTCCATTTTC  
TCAAAACTCCATTGTCATAGCTTTACTTCAAAACTCGTTAGGGTTTGAAACTTTGCCTTCGCGCTTTCTCCTCATC  
ACTCTCCAAAATCATGCCGACCGTAGCTACCAGATTCAATGGCGACTGCTGGAGTCGGAGTTATCACA  
AATCGTTTTTCGAAAACCCCGCTGTTCAAGTCATCGGAGCAATTGCTTTGTAATTCCACTCGTCCTGTTTCCGTT  
CTCACATCCTCTTCTCTCTCTCCCTCAAGCCTTTCTTACCTATGAAACCGAGCTAGTCATGGAGGCTGGGGA  
GCCAGTCCCTAGACTCGTATTTGATCGTGTCCCTAACCTTGAAGAATCAAAGGAAGCCACAGCAGATTTGAAG  
GAGGTCTTGGATGCGATGTATCTTGAATCTGAGCCTCCATTCTCATCGGAAATTTCTCTGCCTCTGCACTCTGA  
GATAGTAGGTGACGGACCAGGGGTGAAGCATGTTTCATCAAGCATTTCGTTTGCTTTGCAATTCCTGAAATT  
CAGAATGCTGTTGCCTCCGCCGCTGCGGACCAGAAGGTATACGAAGCTGTGCTTGAGAATTCTGAAGTCAAG  
AAACTCATCCAATCATATCAAATCAGTTCTGATACCAATGAGGAGAAAGATGAAGAAAATGTTATCCAGGAGG  
AAGAATCAAAGCAAGCGAAATGAAAATGTCCAGGAATCGAAAAGATTCGTAAGTAAATGGTGAAGAATA  
TACTGAGTCATCTTCCAGGCTTATTTGGATCTTCAAGTGTAGAGAATAGTTCTGGATCAGATAGTAAAGAAAAC  
TCAACCATGAAAAGTGGGAATTTGGATCAGGCTTTGTGGAAGGCTCAGGAACCTGAAAAATTCGGTTGTT  
GAAATGGTGACTAAGATACCGAATTATCTTCTAACTTTCATGGATCTTCTTCTCAGCTTCAGAGAGTGGTTCT  
GGATCAGATCATAAAGAAAATTCCTAAAGTTCTGTCCCTGAATTGGATATAGGAACATCTTACAGGGTTGG  
CAATCATGGTTATTATGATTGTAGTCTTCAAGCGAGTTTAGTCTGCTCACAAGAGTCTGCTGGACCTGTGGAA  
GCAGTGTGTAGAGCTTCAAACAAAGGCTCCAGAGTTTGTTAAGTATGTTATAACTTATACGAGTTTATCTCTTG  
CTAAATCTTAATAGATAGTATAAGGGAGATACTTTATGTTAACAAGTGTGTTTAGCTTTCTTATGTCATTTCTCT  
GTGTGCTATGGATAATGGGATGGATATTATGGAGTTAATTGTACCTCACTTCTCTAGGAGGAACAAGATATCA  
ACCTTTTCATTGTATTCTTATTTCTTTTAATGAGGTTACCGCTTTTGGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_414 NM\_105177|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family protein (AT1G65030) mRNA, complete cds

AGTTCGGGGGCCAATCTCCGTTACGCGTAACAAAATTTGCCGCCGAGACTGACGAAGCCACCGACTCCGCCT  
CCATGAGTCTCATCGCAGGCTCCTATGAAAATTTCAATTTGGGGATTCAAGCTAAGACCTTCCGAACCCCCAACT  
CTGACGCTAACACCTTTTTTCTTACCATTCTCATATTTCCGCCATTAAAACCGTCGCCGCCGCCGGCCCGGTC  
GCTGCTTCTGGTGGCAATGACCAACCATTACCTCTACGACCTCTCCACCACATCTTCTCTCGGATCACTTCAT  
GATCACTCTGCATACATAACCTCTCTCGCCTTCTATACTCCTCCTAACCTATCGTTTCTCGTAACCTTGTCTCTG  
CTGCTGCGGATGGTTCGATGTATCTACGATACTGACCCTTTGTCCACCTCAAGACTGTGTTGCCTCACAGG  
AAGGCTGTTAATGATCTCTATCCACCCCTCTGGAAAGCTCGCATTGACTGTCGGCCATGATGAGTGCTTGGC  
CATCATCAATTTGGTTCGTGGAAGGAGGAGTTTCTATTGCAGGTTGGGGAAGAGGCTAGTTTGGTGGATTTT  
GATGTTGGTGGGGATAAATTTTTCATGGTTATGAAAGAGAAGGTTTCGTTTCATGAGGCAGAGGATGCGCGG  
TTGCTGTGCGAGTTCGAAAACAAGAAGAGGGTTTCTGTGTACGCCCTGCGAGAACGGCATCCTGCTTACAG  
GTGGAGACGATCGTTGTCTTACAGCATGGGATGTGAAAAGTGGGAAGGTGGCATATACAATAGAAGAAGCA  
CACCTGCCCCGTGTCAGAGGGATTGTTGTTATGACTAAGAATTCCTCTGGTGCTTTCTCTGACGATGATCCTCA  
TGTAAGTTCATCTGCATCAACAGATGGAGTTATACGTGTTTGGGATGTTTGAATGACTGCTATCAAGGACAAG  
CCAAATCCATTAGCTGAGGCAATACAAAAGCAAGACTGACTTGTCTTGCCGGATCGGCTCTTAAATCTCTTCG  
GCGACCTCAAACCTGGGAAGAACACATCAGACAAAGGCCAGGTCGTACCAAATGTGATGGAACTTAGTAGTA  
GTATTCATTGAGCATGGCTGTGGCCTTTGTTCTTGAACCTATTACATGGTTTCATTGTGATCAAGAGAAGGAGAT  
CCAATTCATAAAGTTCCACATAACATTAATAATGCCAAAGTAGACAACAGAGTCTAGTCCCTCTCTTTCTTGT  
CCATCTCAAGTTCCATTAGTTCTTCTTAAGAGGTTTTGGGTTTTACATATCATGTAAGATTCTTAGTGTTGTTT



GTTTGTTCCTTCTCTATACTTATTTTGTAAAGATAAAGAGCTGTTCTTTTCTCATTTCATGATTATATTGGG  
GAATTTTTTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_415 AF024651|Glycine max polyphosphoinositide binding protein Ssh1p (SSH1) mRNA,  
complete cds

AGAACAACAACTAATGGGGATCGGTTCTGAGGAGGCGATCCGGCAGCTCCGAGCTTTGATGGATCAAGTTG  
AGGAGCGATTGAAATGCACTTTTCAGAATGTTTCATCAAGGCTATCTAACCGAACTTTGGAGCGATTTCTGAA  
GGCGCGGAATGGAATGTTAGCAAAGCCACAAAATGTTGGTCGATTGTTAACTGGCGAGTGGACAATGA  
AATCGACATGATGCTAACAAAACCTATACTTCCTGTCTGATGTTTACAGAGCGGTTCTGTGATTCTCAGCTCATAG  
GACTTTCGGGTATTCCAGAGAGGGCCTTCAGTCTTTGCCATTGGTGTGGGGCTCAGCACATTTGATAAAGC  
ATCTGTTAATTACTATGTGCAGTCCCACATTCAAATCAATGAATATCGGGATCGCATAATCTTGCCTTCTGCATC  
GAAAAAGTATGGGCGACCTATTACGACTTGCCTGAAGGTATTAGACATGACTGGTTTAACTATCAGCGCTG  
AGCCAAATCAAGTTACTGACAATCATATCAACCATTGACGACTTGAAGTATCCAGAGAAGACAAATACATATTT  
CATAGTAAATGTCCCTTACATATTTTCATCTTGTGGAAGGTAGTTAAGCCTCTGTTGCAGGAAAGGACTAGGA  
AAAAAATACAAGTTTTATCAGGTAGTGAAGAGATGAACTGCTCAAGATAATGGACTATTCATCTCTACCACA  
CTTCTGCAAAAGGGAAGGCTCTGGATCATCACGTCATTTCATCTGATGGAGCTGAAAATTGCTATTCTTTAGACC  
ATCCTTTTCATCAACAACTCTACAACCATATCAAGGAGCAAGCAGTTCAGGAATCTTCAAGACCAATCAAACAG  
GGATCTGTTTCATGTGAGTCTACCTGAACCAGGTGCAGAAGGAACTGAAATTGCCAGAACCATTGAGTTGGAG  
TTGCACAAGTATGGGAATGCAAACGCGAACAGGAAGTCAAATGGATTATCCAATCTCTAGGCAGCTTGAAG  
ATTTGAAAAGTGAAGTAATAGTAGAGTTGATGATGCCTTCCTCAGCTTGAAGCAACAGAAGCTGACTTTTCGTT  
ACTTCATGATATTGAAGGCTGCTGAGCGGAAAGCTCATATTGGAAGCCCTGCCAATGGTATTACACAAAATGG  
CTAATGTACTACTACTCATTTTTGCAGTTGGCATTAGTTCCCAAGAAATCCACATATAAGAAAATATATTGTATG  
TAATTTACATATAGGCTGGCTAAGCAGTCAAGTTCCTTCCTAGCTAGATAAGGCATGAAATGAATGTACTTGT  
CCTGTAGTCACTGTTCTTTAGTTAACTCTTGCTGCAGAAGCCATTTTCATATATACTGAAATGCTGTTGTTGTCTA  
CTAAATTTCTAGATATCTAATAATGTAATAAATATTTTCTTAATATCAATAGCTGGCGGTATTTACTTTTCTTTT  
CAAAA

>trans\_c\_416 XM\_002866913|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MRG family protein, mRNA

TCTATTCCGCACTGGTCAGAGCGCCACGCGAGCTCACGAGGAAGTGGGCGAGCCTCTATCTCCTTGGTTCTC  
TTCCTATCTCCGAGTCTTCAACAATGGTAACTCCTCCAAGGACGACGCAGCCACCGACGGCGACATGTCCAG  
CGGCGATTCTCCACCCTCCAATTCCAGTCTCTACTCCGAAGGCGAGAAGGTCTTGCCTATCACGGCCCTCGCA  
TCTATGAAGCCAAGGTTCAAAAAGTTGAGCTTAGGAAGAAGGAATGGAGATACTTTCTGCACTATCTAGGCTG  
GAATAAAAATTGGGACGAATGGGTAAGCGTAGATCGGCTGATGAAATGTACCGACGAGAACCCTTGAAGC  
AGCGAGCCCTTGAGAAAGGGTATGTGGAAAAGAGCTCAAAGTCTGGACGTTCTGCACAAGCAAAGCCAAAA  
AACTTGACCGATGCAAGAGTGGAGAAAAGAGGAGCACAAGAACAATGCACCAAAGGGGAAGAAACGAAAGA  
ATGACTCAGGCACCAAGGACAATCAATCCGTAGAGAAAGTTATTAAGATTCAAATACCTTCAACACTAAGAAA  
GCAACTTGTTGATGATTGGGAATTTGTTACACAGCAGGATAAGCTAGTCAAATCTCCACGCTACCAACCGTT  
GATGATATTTTGACGAAGTACTTGAATACAGATCCAAGAGGGATGGCACGATTACTGACTCGCTGGGAGAA  
GTCTTGAAAGGAATACGATGTTATTTTGATAAAGCACTGCCTATACTGCTCTTGACAATAAAGAGCGTGATCA  
GTACCATAAATTAGTCGTAGATGACGTCTCTCCATCAACTATATATGGTGCAGAACATCTGCTTCGACTCTTTGT  
TAAAGTGCCAGAGCTTTTGGCATATGTGAATATTGAAGATGAAACACAGATCCGGCTACACCAGAAGTTGCTT  
GACTTTCTGAAGTTCCTGCAGAAGAATCAGAGTACTTTCTTCGTCTCGGCATATGAGGGCTGTAAAGGTACTG  
AGGGAAAGGGTAAGAGCAAGAATGACTGAAGCGAATCCTTATTACATGGCATGTACGCCTTCATGCTTGCAA  
TTCATTATCTGGCGTGGAGGTAGCAGATTTTTATGATGCATGCTGCCTTGGATTGTCAAATCAATCCTCTTGT

GTAAGTGTACAAGCCATTTTCCTTCCTTTTTTTTTTCCCATCCCTCTGTTTCTTATTAAAGAATAATCTGTTCATTTT  
AATTTATATTGGTATGGTGCATGCACTGTCCATTTAAGAGTTCTACTTGTCCAGTAGCTCAACTGCCATCATCTT  
TTTTTTCTTTTAGAAGAGTTAAGTAGTCCCAATTGCAAGCCTATGCGAAGATGTCAAATGAATGCTTAAACT  
GTATTGAAATTCTATCAGGAACTGTTCTGTGAATGATTTATTGTAGCCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_417 XM\_002972175|Selaginella moellendorffii glycosyltransferase-like protein (GT47C7-1), mRNA

ATTTGAAGAAATGGGTTTCGTCTTTGCTACCAAATTTGCCCATTCCTTACAACAAACCATTCCCTAATTCCTTCATT  
TCTCTGTTTCCTCCATGCCTCAATCTCCACTTCCATGGAGGTCCTTCTCCTCCTCCACTTCTTCTTCTACTTCTTCTT  
CCAAGTGGTTTCGTGGCCTTTTCTTCATCCCCACTTGTTTAGCTCTCAATTCCTCCATCTTCATTCTCTTCCACATC  
TCTTCCACTTCTACTCCTAATCATTTCCCCTCCCAAATCCCTTCTCATTTCCCTGATTCTTCTCGCCCCGTTTCT  
TCCCTTAATCTTTCATTACAACCTTTCGGGTTTCTCAAAAGATCAGTTTACAGGACGACAATGGCGGTCCCCCT  
CTGCCTCAGATTCAGACTCAACCTTTTCTCCTCTCCCTCATTTGGAAGGGGAAGTCATGAACAAACCGAGGG  
AGTGTTCATGATGAAGAGTTATTTCTGAAGACTACAAAAAATGAACAAAAGCTTCAAGATCTATGTTTATC  
CTCACAAAAGAAGCGATCCCTTGCACGTTCTTGTGCCAAAGGACTTTGAACCCCATGGAACTATGCTAGT  
GAGAGTTACTACAAAAAATCTCTCTTCAAAAGCCATTTATCACAATGATCCCAAGGAGGCCGACTTCTTTTT  
CCTTCCGATCTCAATCACTGGCCTCCGCAATGACCGTCGGGTTGGTGTTAGCGGTATCCCCAACTTCATTGAG  
ATTACATCTTCGATGTTAGCCACAAGTATCCATATTGGAATAGAACGGGTGGGGCGAATCATTTCTATGTTGC  
GTGCCATTCGGTTGGACGATCCGCTATGGATAAATCAAGTGAAGCTAAGTCAAGCATTTGTCCAAGTTGTTTG  
CTCTTCTAGCTACTTCTTAACGGGCTATATTTCCATAAGGATGCAGCTCTGCCTCAAATCTGGCCTAGGAAAG  
ATGAACCTCCAAATCTTGCTTCTTCAAAGAGGACGAGGTTGGCGTTTTTGCAGGAGCAATGAACTCCCCGAC  
ACGTCAAGCGCTTATTCAAGTGTGGGGTAAGGATTCAGAAATCTTGCTTATTCGGGTCTGCTTAAGACACCTT  
ATGCTGATGAACTACTCAGAAGCAAGTTCTGCCTTCATGTCAAAGGCTTCGAAGTAAACACTGCCCGAGTTGG  
AGATTCTATCTTTTATGGATGCGTTCCAGTGATCATTGCCAACTACTATGACCTCCCCTTTGGTGATATCTTGAA  
TTGGAAGAGCTTTTCGGTTGTTGTAACGACATCAGATATCCCGAGGTTAAAGGAAATCCTCAAGGGAATCAAT  
GATGAGCAGTATGCAAGATTGCAAAGTAATGTATTGAAAGTGCGTAGACACTTTAAATGGCATTCTTCTCCGG  
TTGATTATGATACTTTTCATATGGTTATGTATCAGTTATGGCTTCGAAGAACTTCGGTTC

>trans\_c\_418 NM\_104869|Arabidopsis thaliana PPR336 (pentatricopeptide repeat 336) (PPR336)  
mRNA, complete cds

ATTTCTCAAGTTTTCCCTACTGATCATTCTCGAGCTATGGCGCTTCTCTATCGCCTCCGTTCTGCTTTCTTTCGA  
ACTCGACTTATATCAACTATCATCTTCACTACCGTTCTCTCTCGACAATCCTTTCCCCCGATTCTCTACTCCTTTG  
TCAGCAAAACAAAATCCAGGGCCGCACTCTCCCTACTGAAAACGGAGGAGAATCCTGAGCGCATAATTGAT  
ATTTGCCGAGCCGCTGCTCTCACTCCAGAATTTATCTCGATCGTATCGCTTTCTCTGTTGCCATTTCCAAGCTTT  
CAAAATCCAAGCATTATGATGGGATTACCGGTTCTCTCGAGGAATTGAAATCTCGTCCCGACTTGAAGAACGA  
GCGTTTTGCTTGCCACGTTATTGCTCTTTATGGCCAGGCTAATATGCTTGATCATGCTATTGCAACTTTCAAGCA  
AATTGATGAACTGTGTGCGTCACTCTGTAAATTGCTAAATTCGTTGCTATTTGCTTGTAATGTAGCTAAGGAT  
TACAAGGAACCGAAACGGGTTTTTATGGAGTTCCCTAAGATTTATGGAATCGAACCGGATATCGATACTTATA  
ACAGAGTGATTAAGGCGTTTTTCGGAGTCGGGTTCTGTCGAGCTCAGTGTCTTCGATTGTGGCGGAGATGGACA  
GGAAGAATGTCAAACCAATGCAACTTCTTTGCGAATTGGCTTGCTGGGTGCTACATGGAAGAGAAGTATG  
AGGATGTTGAGAAGGTCCTAAAATTGATGGAGAAATATGGCGTGCGGCGTGGAGTTGCTACATATAATGCAA  
GAATACAGAGTCTTTGCAAATTGAAGAAATCAGCAGAAGCAAAAGCTTTATTTGATGGAATGTTATCAAGAG  
GTACGAAACCAACTGTGTTACATATTGTGAATTGATTATGGATTCTCTAAGGAAGGAAATCTAGATGAAGC

TAAGAGCCTTTTTAAAAGAATGATCAACAGCGGTTGCAAACCAGACAGTAATTGCTATTTCACTTTGATTACT  
TCCTTTGTCGAGGAGATTATGAAACAGCTTTGAAGATCTGTTGCGAGAGCATGGAGAAGGGGTGGGTTCCAA  
ATTTTGGTACAATGAAGTCTCCTGTTGATGGGCTAGTTAGTATTTGGAAGGTCGAAGAGGCAAAGCAACTTAT  
TGGGCAAATCAAAGAGAGGTTCTCAAATAATGTTGAAAAGTGGAGTGAAATGGAAGCTGGATTACCTCAGTG  
AGGAAATTCTGGGATCCTGTGCAACTATCAATACCAAGCGAACGTTGAGGAAAACTAGAGAACGAGGCATT  
TTTTCTGGCTTGAGCTAATTATTCTCTGCATATGTTTTACATCGATGCAGTTAATTGTTTGTGTTTGTCAAGAAGC  
TGTTATACAATAGCACTTTTTGTGACCCTTCTGAGAGGCTACGCTGAAATTCTAATGTCTTTATGTTCTGGCT  
TTAC

>trans\_c\_419 AY074875|Arabidopsis thaliana At2g14530/T13P21.9 mRNA, complete cds

GTAAAGGAGAGCCACCATCGTCATTACCAAGCGAAGCAAATTCCTCTTTTCCCCTTACTTTCTTATCTGCTTC  
GTTTCCATTTTTCTGCTCTCTCGGTATTCCACAAAACCTCCGTGATTCCACGACCGCATCAGACTTTCCAATTCA  
TCAATGGCGTTAAATCAGGTAGATCCACGGCGGCTGGGGGTGACTCGTGTGACTATTCTGATGGAAGTTGGT  
TCCATGATCCTAATTTGAGAACCTCCAGGTACGACCACACCTGCAAGGAGATATTCAAAGGCTGGAAGTCTT  
TGCGGCGAACAAATCCAATGCCCTCGAAATCACTAATTGGCATTGGAAGCCGACGCAATGTGATCTTCCGCAT  
TTTGATCCCGTTTCTTTCTTGAGAAGTTCAGAAATAGTAACATTGGGTTTGTGGCGACTCCTTAAACAGGAA  
CATGTTTGTTCCTTTTTTGTCTCTGAAAAGTGTGGCTGGTGAAGTGAAAAAGTGGCGTCCAGCCGGTGCA  
GATCGTGGATTTTCATTTCTAAAGTACAATCTTACAATTGCATATCATAGAACAAATATTCTGGCACGATATGG  
ATGGTGGTCAGCTAATGCTGACGGTGGGCCATTAGAATCTCTGGGATATAAAGGAGGATACAGAGTTGATGT  
TGACATTCCAGAAAGTTCGTGGATGGAGGCCCAAATTTCCACGATGTTTTAGTTTTAACACAGGACATTGGT  
GGTGGGCGCCTTCAAATTTGACCCTGTAAAATCACCCATGCTTTTTTCGAAAAGAGTCTGCCTGTCATTCT  
CCGGTACCTCCTGATGTTGGCTTGGACATGGTTTTGAAACATATGATATCATATGTGGAGAAAAGAATGCCAC  
GCAATGCAATCAAATCTTCCGTACGCAATCACCTAGGCATTTTGAAGGAGGTGACTGGTACCAAGGTGGTTC  
TTGCCAGCGGCAGCAGCCTCTTCTCCACAACAGGCCGAGGATCTGTTCTCGCTGACGAATAACAGGACCAAT  
GTTGAGGTCCGACTTGTAATGAGCACCTTTTCAAGGCTCTCAATGGAAGTCTTCCATATTTTGAACATAAC  
TCCCATGAGTGAGTTGAGGGCAGATGCACATCTGCCGAGCTGGTGGAAAGAAGCACGACGATTGTATGCA  
CTGGTGCTTGCCGGGACTCACCGATACATGGAACGACTTGTTTCATACAACATTTATACAACATTAGACGTTAGT  
ATAATTTCTCCTTAACACCCTAAAATTTCTTCTTCTGATCTGTTAAAAGTGCTCTTGGATCATATTTATTGGAG  
CTTTGTAGGATTGAGGAGATGATTCTTCCCTTTTGCAAATTAACCTTCTCTACTTGACTATCAGATTTTAAATTT  
CAAGGATGCTTCTGAAAGTTATTTACAATGAGAAAAATATTGAATTAGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_420 AF196288|Medicago sativa subsp. x varia Ser/Thr specific protein phosphatase 2A B  
regulatory subunit alpha isoform mRNA, complete cds

ATATCAACTCCATCTCCAATAATAGTGACGGAGAACTTTTATATCAGCCGATGATCTGCGGATAAATCTCTGG  
AACTTGGAATTAGCAATCAAAGTTTTAATATTGTTGATGTCAAGCCTGCTAACATGGAGGATCTGACTGAGG  
TGATAACGTCTGCAGAGTTTCATCTACTCATTGCAATATGTTAGCATACAGTAGTTCAAAGGATCCATCCGC  
TTAATTGATTTGCGGCAGTCAGCATTATGTGATTCTCACTCCAAATTATTTGAGGAGCAGGAAGCACCTGGTTC  
TAGATCCTTTTCACTGAGATTATTGCCTCAATCTCTGATATCAAGTTTGGAAGGATGGAAGATACATTCTTA  
GTCGTGATTACATGACTCTCAAGTTGTGGGATATTAATATGGATTCTGGTCCAGTTGCAGCATTTAGGTTTCA  
GAATATTTAAGACCTAAGCTGTGTGACCTGTATGAAAATGATTCAATCTTTGATAAGTTGAGTGTTGTTTGG  
TGGAGATGGATTGCGAGTAGCTACAGGCTCTTACAGTAATTTATTCCGTGTGTTTGGCTGTATATCGGGAAGT  
ACAGAGGCTACAACCTTTAGAAGCTAGCAAAAATCCAATGAGGCGTCAAGTTCAGACCCCTTCAAGACCTGCCA  
GATCTCTGAGCAGTAGTATAACACGAGTCGTAAGACGAGGAGCAGAGAGCCCTGGGATTGATGCAAATGGA

AATTCCTTTGATTTACACAACGAAGTTACTGCATTTAGCTTGGCACCCAACTGAGAACTCAATTGCCTGTGCTGCT  
GCTAACAGCTTGTACATGTATTATGCGTAAACGTGGTTTAGCAAGAGAACGCATTTTGCTTGGTCGACTTTCTC  
GAGTTTCTCTTGAGAAAAATTATTTACCCATTTCTTCCAGCCATTGATTCGGAAGCTTTGCAAGTACTCAAGAC  
ATCAATGACGTACCCTGAAGACTTGTTGAATGTGCCTTTGGTATCCCGGATGCAGAGGTGGCTGCCACCCAA  
AACCTCCACAAGGTTTATGTTGATTTCTCTGCAGTGGCTGCATCTCATTTTACTCCTCCCTCCCTCTTTCTCAAC  
CCCAACTATTTAGTTTCTTCTTCACTCTTTTCATTTCCCTGCATCTTCTGAAAGAGAAGATGTAGTTATGTTTCA  
GATTGTTTTGGGTTGGAGCCATGAAGGAAAAAAGAATGTGATTGTAGCTCTCCTACAACAAATACTATAAAC  
GAATGTTCAATATTTGCAACAACCGCAACTAGGTTTAAGATTACGAGGAAAAGGAAAATGTAGTTTTTATTCA  
TAATCTTGGTTGGGATGAACTTTTGATAAACTTACACAGCATCATTTTTTCATTGATTCTTTGTGTGACTGAGT  
GGTTATTTATTTGACCATCATTTATTAGAATTCATTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_421 GU197541|Phytolacca acinosa ARF-GAP protein (AGAP) mRNA, complete cds

ACCCCTTACGAAAAAGATATTAATAAAAAAAAAAAGGAGGGTGGAAGAAGAGAGTTCTGCAAATTTCAATC  
ATCCACATCCACGGGTATTCAACATTCTGATTTTTCTGCCAATCCCTTCTTTTCTCCATTTCTCGTACCCGA  
TTGTCTTCAATCATCGATCTCACTGGGATTTGTTGGATGATCGTCTATTACTGGCGGAGCAATGAATAATCGCG  
CAATGGAAGTTGGGAGGCCTGGCTCAGGCAAAGACGATTAAAGGACCTATTGCTTTAAAGGATAATCGCTT  
TTGTGCAGATTGTCGCGCTGCAGATCCTAAATGGGCGTCAGCAAATATTGGAGTTTTTATATGCTTGAAATGTT  
GTGGTGTTTCATAGAAGCCTCGGTTACATATATCTAAGGTGTTATCAGTGAATGGAATGATGA  
TGAAATTGATGCAATGATAGAAGTTGGAGGAAATTCTTCTGCAAATGCTATTTATGAAGCCTATATCCCGAG  
GGATATTCCAAACCTGGACCTGATGCCACCCACGAACAACGTTCAAAATTTATTCGGTCCAAATATGAACTTCA  
AGAATTTCTGAAACCGAGCTTGAGAATTTTATCATCAACTCTGACAAAAGCAACATCCAAGCAAGCTTTTCTA  
CAAAGATCATGAACAGCTTTCGTACGAATTCTTCAAAAAACCACAATCACAGGAAGGTATGGTTGAGTATAT  
TGGATTATTGAAGATCAAAGTGATTAGAGGGACAACTTGGCTATAAGAGATATGATGTCGAGCGATCCTTAT  
GTAGTCATGACTCTTGACAACAGACTGTCCAGACAAGTGTAGTCAGGAGCAACTTGAATCCTGTGTGGAATG  
AGGAACTGACACTTTCTGTACCTCAAGTTTTGGATCTATAAAGTTGCAAGTATACGACTATGACACATTTTCA  
GCAGACGACATAATGGGAGAAGCAGAGATTGATCTCAACCTTGATAACATCCGCAATGGCATTGAGAT  
GCTGGAATGTTCTCAAACATGCAAATGGTAAATGGCTGAAATCGCACGACAATGCTCTCATAAGCGATAGCA  
CCGTTAATATTGTTGATGGAAAGGTGAAGCAAGAGATAGCTCTCAAGCTTCAGAATGTGGAATCAGGAGAAC  
TAGATCTAGAGCTAGAATGGTTGGCTCTTGAACAATAGGTACATATAAATCCATCCCAATTTTATTAATAATG  
AGTGGTTAGTTATCTGGTATAGTCATTCTTATAGAATGGTATTGTGTATTTTTTTCTTCTTCTTTTATTGTTTT  
CTTCTCTATATTGGGCTGAAATTTTTGTCTATCCATACTTTGTGGTCAGTAGTTGTAATCTTTATATTCTCAA  
ATCTGATCACATACTTCACTTGGTTATAAACTCCAATGAGATATGATGGCTGAAAACATTGGAGTTGAAA

>trans\_c\_422 NM\_001066987|Oryza sativa Japonica Group Os07g0645100 (Os07g0645100)  
mRNA, partial cds

TGAATCAAATGTTTGACAAGCACAAGGAATCAAGACGCCGCACTTATGTATTCATACTCCAATTATAATCCCT  
GTTTGGTCTCAGGTGCGCATGGTGGAAGATGATTTGATGTATAGCACTTTCTTGAGGTGTATGAAAATCACT  
GTGCAAGGAACGACCAGGAGGCAGATCTACCAATTACATATTTCAAAGAGCAATTAATCAAGCGATATCTG  
GTCAAATTTTGCCAGAAGCGGTCGTAGATCTTCGCTCCAAGCTTTTGGTGATATAACAAGAAACCTTGTAAC  
GAGGGCATATTTTCACAGTACATGTATAAGACATTACTCAGTGGAACACATGTGGGCTTTTAAAAAGCAGT  
TTGCCATCCAATTAGCACTTTCGAGTTTTATGTCTTACATGCTACAGATCGGAGGAAGGTACCAAAACAAGATT  
TATTTTGCTAAGAACACGGGGAAAAATTTTCAAACAGATTTTACCCTGCATACGATGCAAATCGTATGATCGA  
ATTCAATGAACAGTGCCTTTCAGGTTAACAGGAATATGCAAGCCTTCTTCTCAAATTTTGGAGTGGAGGGCT  
TAATTGTTTCTGCCATGTGCTCTGCTGCTCAGGCAGTTGTTTACCCAAGCAAAATCAGCATTTGTGGCATCAA

CTTGCCATGTTCTTCCGTGATGAATTGCTATCATGGTCCTGGCGAAGACCCCTCGGTATGCCTTTAGCATCCATT  
GCAGCTGGTGGTATGAACCCTGCTGACTTCAAGCAGAAGGTCACTACCAATGTTGATCTCGTCATTGGCCGGA  
TTAATGGAATAGCACCTCAATATTTCTCCGAGGAAGAGGAGAATGCCATGGACCCGCTCAGTCGGTACAAA  
GGGGTGTGTCAGAGCTGGTTGATGCTGCCTTGACGCCGAAGAATCTGTGCATGATGGACCCACATGGCATC  
CCTGGTTTTAATTAAGGTACAATCCACAACCTAGGAAACAGGAGAGAAAGGTTAAAAATTTGCATACTGATAT  
TTGGGGTCTGCTACTAACATATTATTGTTGTGCATAGTTAATTGTGAGTCCTTGATAACTCCTCTTGACCCCTTG  
ATATTGTAGATGATTACTAGAGTTGATAGGCGAGATCATCAACATTTGCCAATCTTGTTTCCCATTTGTATGTA  
AAGAGGTAAGGTTTTTGTATATTGTGGGTGATATGATGTCAATTCTCACATCGTTCCAACACCAAATGTTCACT  
TTGTTTCATAGTCACATAGAACAGTGCCTACCGACGCCTTAAGGGTCATGGAAAATACTAAAAATATCAGTTA  
CTGATTTAACTTAGTAGCTAGCGCTCTATAAGTATTGACTTATTTTCTCGTGCTTTCTGAAGCGTTCAGAGTCTT  
TCCAAGGGATTCTGTAATGTAATTCAAGTGCTCTTCTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_423 NM\_001074898|Oryza sativa Japonica Group Os11g0645200 (Os11g0645200)  
mRNA, complete cds

AGAAGTCCCCCTGCCTTGTTTCATCTTTCTTCTGTACGATGCCGGTTCCTCTCTTCAATCTTGCTCCGAATCTCACT  
GTTTCAAGGCTCTGCTTTGGTACCATGACGTTCCGGCAACAAAACCTCTCTGTTTCAGTCATTTACCTCCTTGAC  
CAAGCTTTTCGATGCCGGCATCAACTTCTTCGATTCCGCAGAAATGTATCCAGTGCCTCAACGTTCTGAGACTCA  
GGGCCGGAGTGAGGAGTACCTTGGCCATTGGATCAGAAGCCGAAAAATTACTCGGGACCGTATTGTTTTAGC  
TTCAAAGGTTGCCGGACCATCTGGGCAAATGACTTGGATACGAGGCGGACCAAAGTGTTTGGATACTAAGAA  
TATTACAGAAGCAATTGATGCTAGGTCTATAGTGTGAAATCACGTATTTTACAGATAGATATCAGGGATAAA  
TACATTTTTCTGTCCTTGAGCTTAAAGCGACTACAAACGGATTTTCATTGATATTTACCAGATTCATTGGCCTGAT  
CGGTTTGTATGTTCCAATGTTTGGAGAACTGAATATAATCCATCCTGGCAATACTCATCAGTTACAATAGAAG  
AGCAACTATTTGCGCTCAGCAAGGCTGCTGATGCTGGTAAGATCAGGTATATTGGCCTCAGCAATGAAACACC  
TTATGGTGTTATGAAATTTGCACATATTGGTGAAAGATATCCCCACGTTCCGAAAGTGTTTCATTGCAGAATT  
CGTACAATTTGCTTTGCCGAACCTTTGATTCTGGCCTAGCTGAATGTTGTCATCACGAGAGAATCAGCTTATTA  
GCATACAGCCCCTTGCGCATGGGCATACTTTCTGGGAAGTACTTTTCTCCTGAAGGCGGTCTGCAGATGCTC  
GACTTCATCTTTTTCAGAGGAAAAATATTTAGAAGGGGAATCTAGATATAACCTAAACAATACCGTCATCAGAAC  
AGCTACCATGGACTATATTAAGGTTGCTAAGAAATATGGCCTTCATCCAGTCTCTATGGCAATTGCCTTTGTTCT  
CAGGCATCCCCTTGAGCAAGTGTCGTTTTTGGCGCTACCAAGTCATGGCAACTCTTGATATTCTAAATGCAA  
TTAAGGTTGAGCTCACACCTGAAATGATTTCTGAAATAGACGAAATTCATTACGGTTTCCAATCCATGCCCT  
TGATTTGGATTTTAAACAAGCGAAGAAGCAAATAACTCAAGTTTTCTCTTCTCCAATATTAGATGCTGTCTTT  
TAGAAAATCATATTTGTGTAAGGTTGATTGTGAGATAAATGTGACTTTTAAACGGAAAAAAAAAAGAGGAG  
GTTTTCTCTCCTCTAGTAAATCTAAGTGAACCTAAGGAAAGCAGCGACCTTTAGTTAAAGGGCAATTCTAACTTT  
TTGATAGTCAATAATTGTTTCATATTTATGATTTATACAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_424 XM\_002888233|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl hydrolase family 17  
protein, mRNA

TAAATAAAAGGCGAAACATAACTGGTACAGATACTGCTGTTCTGCAGAGAGAGAGAAATCTGATTCATCTCTT  
TCGCTTTCCATCGCCATTTTCCACACAAACCCACACGAGAAGAGAGAGAGAGCGAGGGAGGGAGAGAGAGG  
GAACAAAACAAACCCCACTTCTTCCCTTTTCTGTTTTTGAATTTTTCAGTCCAATAATATATCGCCCAATTCTTTAT  
TTACTTTTTTCTTTTTGTTCTTCAAATCACAACAACGCTCCCCCTTCTTCTTCTTCTTCCCCATCTTCTTCTTGGC  
TTCTTCTTCTTCTAATTGTTTATTTAATCCTCCATTCAATTCTAACCGTTGAGGGGTCCCATTTATTTATCTTATAT  
TTCCCCATTTCTGAATTTTCTATCCCACTCTCCACTTTCTCTGCTGGCGGTTGCGTTCTTCATCTTTTTCAGCTT

>trans\_c\_425 EF194047|Populus tremula x Populus tremuloides xyloglucan  
endotransglycosylase/hydrolase precursor XTH-38 mRNA, complete cds

>trans\_c\_426 XM\_002885931|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

AACCCTAAACCACTTCCATAGCGGAGATTCTCATATCCCCGTTCTCAATGGAGGTGGCGGTTCCGGTCTCTCC  
TGTCGACTTCAACTTCGACAGCGCTTGCTCTTCTCCTTACATGACCGCTCCTTCCAGTCTCAGCGCTTCGGCAA  
CTTCTTCTTCTCCAGCGCTCCTACTTCTCCTTCACACGCCGCTGCATTCTACTACGACTTCAACGACTTTGATTCT  
GCCTATGTCGACGGAAGGACTTCTCCGCCTCCGAAATTCCTTTCCTCTGGGAGGACTTGCCTGGAATTGTGAA  
ATCTGGAGGCGATGCTTCTAGTAGTGTTGCTGATGACGATTTTCAATTCGATTTCACTGGACAGTTGGAACGG

ACTTCTTTGTCGGCTGATGAGCTTTTCGATTGCGGTAAAATCAGGGCTCTAAAACCTCCGCCGTCTAATCGAGT  
AACTGATTCCATCTCCTCATCCCCAGCATCCTCGAGAACTGCTCAGGGAAAGAGAATAGCTCAGGAAGCGCTG  
TCTCCTCGTACACCACGCCGGAGAGATACCGATTATTGGAAGAGGCTCTCAAAGCAACGACACAAAGAAAC  
GGCGACGGAAGCGAGGGAGAGAAAGAACGAACATGTCTCCTCCTCCTCACGGTCGTCTTCATCCATAAAA  
CGCAGCGGAAGCCGATCGTTATCTCCACCACGAGTCTCCGACATCATACTGGATCCGGATCAAGAAATTGGAA  
CAAAATCCATGGTTCCTTCCACCACAAGCAACAACGAGAAACAACACTCAATTTATCATCGGCATCATTTCTG  
TCGGCATTCTCATTCTCCAGAGGACAGAGAAGGTGGAGAATCAGAGACCTGTTACTTTCCGAAGTGCATCAG  
AAGGACGAGCGACGGATAAGAAGGTAGTGGAGGAGATGAAGAACTCAAGCTTCCGATCAATAGAAAGCTTG  
AGTCCGTGTGCGAGTTCGAGAAGGAGAGGAGCAATTTGGGCTCATGAATTGCATTACAAAACAAACAGAGCA  
GTTTCAGAGGAATTGAGGAAGAAGACGAGTTTGCCTTACAAACATGGACTCTTGGGCTGCTTAGGCTTCAATT  
CTACTATGCAACGAAGTTTCTCAAGAAGCTTTGGCTCTCTCGCACGTGCATGATCGTAATATTTTCTTCTTCCC  
TTTCTCAAAAACAAAATATTAATTTTATTCAATGTTGTATTCTATTTTGATGCAGATACAATTTTCTGAAGTTGTA  
TATTTTCCCACCAATCAATTAATTACAACCTCCAATCCTTATCTATATGGTTCATACACACACACACACACAC  
ATATATAGTAAGTCTCATTATTTATTACCTTTTATTCTCTAACGTTGAAGGTTCCACAATTTGTATATATTTGT  
TCTTTAAATGTTTGTGTTTTTGTCTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_427 AY050458|Arabidopsis thaliana AT5g15400/T20K14\_10 mRNA, complete sequence

AAGTCCAGAATATATTAGAAATCCTTACTTAAGAGCAAAGATGGTTGAAGCTCTGAACTGCTGGATTCTCGT  
AGAAGTGGTTCATCTGTAACGGCAACACTATTTGAAGGCCACCAACTATCGCTTGAGTATCTTGTTAGGAATCT  
TTTAAACTCTATGTAGACATCGAGTTTACTGGATCACATACACAGTTTTATGACAAGTTTAACATCCGCCATA  
ACATTGCGGAGCTTCTGGAATACCTTTGGCAGGTTCTAGTCATCGCAATGCTTGGAGAATGATTGCCAAGGA  
AGAGGAGAAGGGCGTTTACTTGAATTTCTTGAACCTCCTAATCAACGATAGCATATATCTTCTTGACGAAAGTC  
TTAATAAGATTCTCGAACTTAAAGAGCTTGAAGCTGAAATGTCAAATACTGCAGAATGGGAACGGCGACCTGC  
TCAAGAGAGGCAGGAAAGAACTCGGCTCTTTCATTCCCAGGAAAATATCATCCGAATCGATATGAAATTAGCA  
AATGAGGACGTGAGTATGTTGGCATTACTTTCAGAGCAAATCACAGCTCCTTCTCTACTTCCAGAGATGGTCG  
AAAGGGTGGCCAGCATGCTTAATTATTTCTCTTGCAACTTGTTGGTCCTCAGCGAAAATCTCTTAGTCTGAAA  
GACCCTGAAAAGTATGAATTCCGTCCAAGAGCGTTGCTTAAGCAGATTGTTACATATATGTTTCATCTGGCAA  
GAGGCGATACGGAGAATATTTTCCCAGCTGCCATTTCAAAGGATGGCCGATCGTACAACGAGCAGTTGTTTAC  
TGCTGCAGCAGCTGTACTTCGACGTATTGGAGAAGATAGTAGGATAATACAGGAGTTTACTGACCTTGGAAC  
AAAGCCAAGGATGCAGCTTCTGAGGCAATGGATGCTGAAGCTACTCTAGGAGATATACCTGATGAATTCCTCG  
ACCCGATCCAATACACATTAATGAAGGACCCTGTGATCTTACCTTCTCGAGGATCACTGTCGACAGACCCGTC  
ATTCAAAGACATCTCCTCAGCGATAGCACCGACCCATTCAACCGGTCTCATCTGACCGCAGACATGCTAATACC  
GAACGAAGAGTTGAAAGCAAGAATCAAAGAATTTATTAGGTGCGAAGAACTGAAGAAGCAACTAGATGGAG  
GAGGGGTTGCAATGCAGAGCAGCAAGGCAACCATCCAACCCACAAGTGGAGAAATGTTGATTGATTAAAATT  
GATAAATAACTTAATTGTTTGTATCTTATGATTTGGCAACGAAATATTTTATGAAGATAATTTATATTTGAGAA  
TTAATATTATTTTCTTGGGCACTATTCAAGTGCTTATTGCCTAACCTTGTAAGTTGCAATATTTGAAAATAAAAA  
TCTTCAACTATAAAGAAATCAGTAACTGGGAGATGGTCTAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_428 NM\_122766|Arabidopsis thaliana calcium-binding EF hand family protein  
(AT5G28830) mRNA, complete cds

ATTCCAAGTAAACTCTTTCATCTCTCTCTCTCTCGAGATTTTTCTTCTTCCACCAAAAATGTCAGAAGGC  
CCAATAACCGTCCTTGACGGCACACACCTAAGAGACATTGACCTTACTCCCCACTTCTCCGATGCTCTTCTCACC  
GGAGCTCATCTCCTCGACCTCGCCGATTCCAATGTCTCCTCCTCTCTTCCGGATCCCCTTGCCGGAGGCTCTC

AAATCATCTGCTCTCAATATCATCGGTCTCCACGACATTGTTGCTTTCCGACGATCCGAGCTCACTCCACAACGA  
GCCTCTGAGATTCTCAAGGACTATGTGTCTGCGATTGCCGATATTTTACGAGATGATCCTCTTTTAGTATCAATT  
TTGGATGGGAGCACTTTGCGTATTTTCTTAGATGATGAAGATGATTTTGCAATGCTAGCCGAGACTCTCTTAC  
TGATTTAGATACAGAAGATAAAGGAAAGATCAAGAAGAGTGAGATTAAAAATGCTCTTGTCCACATGGGGGT  
TGAAACGGGTGTACCACCTCTCTCAGAATATCCTTTGCTGAGAGACATTTTGCAAAAACATGAAGTGGAGAGT  
AGCACTGAATTGGGTCAAGCTCAATTTGCAGAAGTGCTTCAGGCTGTCCTTCAAGAGTTGGCAGATGCTCTAG  
CAAAAAAGCCTTATGTTTTATTCAAAATATCAAGATCACTAATGGAGCTCACATTAAAAAGCTTTTGGCTGAC  
AAAAAGCAATTCACGATGTCATAGAAAAGCTCTGGCAGTGGCAAGGAACCTATAAAGAAGAGAATGGGGT  
AAAACTTTGCAAAAAATCAGGAATTACTTCGAAAAAAATGGAAGGAAGTGGGCTTACCACCACCTACAGA  
AACCAATGAAGCCGTGGTCTTCTCTATGATGAAATATTTGCTGATATAGCGAAAGAGAAATGTTGTTCAATA  
ACTGACAAAATTCAACTTGAAAACTTGCAAAGGAGATTTTGGAGATATTTGTGGAGCAGCTTGAAGCAAGT  
CTGTGTATTATGATGATTGGGAGCACAAATGAACAAAAGGTGGCGACCGTGTAAAATCAGGAGCTCGGATTG  
TCAGTTAAAGAATTGGTTGTTTCTACGATACAATCATCATTCTTATGATAAGGTACGAGCATTTAATGGTAA  
GGTAATTATAATATTGAGATCATAGTCATTTTATTATACCATCTGAATTTGAAGGTCCTTGATCATAAGGTG  
GCCAACAGGTTCTATACCATGACATACAAAATCAAAGTATGAAAATACATCATTTTGGTTATGCTTCTTTGT  
GTACATTTTTTTTTTGGAGGAACAATTTGTAATCCTACTGACAAAATTCTCGTGCTCCTTAGTGAAGTTTTATCT  
GGTGGGATCAAATGGTCATCTAAAATTTGAATTTGGAGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_429 XM\_002878111|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S2, mRNA

ATCAAACCCCTAACTCTCAATAACCCCCATATATAAATTCCTTCTTTAGGGTTTTTTCATCCTCATACACTCTCAAA  
CCTCCGGTCATTCTCATTTTCCCTGCCGTTCTTCAATAACCCCTAATCATGGCTGAACGAGGAGGAGACCGCGG  
CGGCTTTGGCAGAGGCTTCGGTGGTAGAGGCCGTGGTGGCGACCGTGGCCGTGGACGCCGTCGTGCTGGCC  
GCCGTGACGAAGAGGAGAAGTGGGTCCAGTCACCAAGCTTGGCCGTCTTGTCAAGGAAGGTAAGATTCAAT  
CACTGGAGCAGATTTACCTCCACTCTCTCCAATCAAGGAGCATCAGATCGTTGATACTCTCATTGGCCCTAGC  
CTCAAGGATGAGGTCATGAAGATCATGCCTGTGCAGAAACAGACCCGGGCTGGTCAAAGAACTAGGTTTAAG  
GCCTTCGTTGTCGTTGGCGACGGTAATGGCCATGTCGGATTGGGAGTTAAGTGCAGCAAAGAGGTGGCGACT  
GCTATTCGTGGCTCGATTATTTGGCTAAGTTGTCCGTGATCCCTGTTAGGAGGGGTTACTGGGGTAACAAGA  
TTGGTAAACCCCATACTGTTCTTGCAAGGTCACCGGAAAGTGTGGCTCTGTCACCGTACGTATGGTCCCTGCT  
CCTCGTGGTGCTGGTATTGTTGCTGCTAGGGTCCCAAGAAGGTGCTTCAATTTGCTGGTATTGAGGATGTTTT  
CACTTCCTCAAGGGGATCCACAAAGACACTTGGAAGCTTTGTGAAGGCTACCTTTGATTGTCTATTGAAAACCT  
ATGGTTTCCTGACACCCGAGTTCTGGAGGGGAGACTCGCTTACCAAAATCTCATTCCAAGAGCACACCGATCT  
GTTGGCTAAACCGACTGTAAAGGCGTTGTTGTTGGAGGATGCCGAGAGGGTTGCTGCTTAAGTCTGCGTAGA  
TTTGGTATGCTTTTGAATCGAAAAGAGAAGAATGTTTTGTTAGGACAACTCTATAGTATATGCTTTTCACTCT  
GAGTTCATTTACTTTCAAGGATAGTGTTATTTATTTCTTATGGGTACTTGACTCTGTTTTTTGTTTCTGAATT  
CAATGGCATAAAGCTTGATTTTGAATGCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTTGCCAAAG  
CTTCTCTGCTTGTGTTAGTCTTTGACTTTCAATTTGCAAGCAGCATTGTTGAGGTTGCATGAAATCTTTAGTGC  
CTTGCTCTGTTGCTTCTCCTCATCACTAAAGGAGGTATCATATTCAATGTAGCGAACAGCCTTTTCATATCTTCT  
TGATGCTCTCTCATATTTCCAGCTTTGAATAGAACGTTTCCCTCTTCTTTTACCTGCTGCTTCTATTTTCT  
CTTCTGCTTTGTTCAAGTCCCAAGATTCTTTTCTTTGACGAATGAAACCAGCTCAACTTCGTAATGT

>trans\_c\_430 NM\_001051157|Oryza sativa Japonica Group Os01g0817100 (Os01g0817100)  
mRNA, complete cds

TGAGTCAAGTCAAATCTCAAACCTCTTCTTCTTTTCGGTCTCCACTTGTTGCTCTACCTTACAAATTCTCTCTT  
GCTTCTCTTATTATTCTGCTGATTCTTCCATCTTCCCTTTTTTGGTCGTTACCGGCGCCTCTTGTGAACCAC



TCGTTTTTTTCTATTTATTCCGGCTGTCGTTGCTACTTTTCAACACAAATTTCAATCCAGTGTATCTAGCCGAAGT  
ACTTTGATGCCCATGGCCCCCTAGTGCAATTGGCTTTCTAAGCCTACACCGACCTTTTCCGAAAATTTGCGGG  
AATTGCACATTTGCTTCTGGCTCTTGTGTACATGACTATCTCAGACGCTTCCGGTCCGAGCAAGGAACCTTCTAT  
GGCTGGCTTCGGTCTTTTCTGGCATTGTTTTCTGCAAGATTGTTTACACGTTAACAGGCATCATTAGCCTCCAA  
GCTTTAAAGCATATGTCAAATAAGCAATTTTGAAAGGTTGAATGGAACAATAGGGGATTTTCAACATTCCA  
CGCCCTTGTTGCAGCATCTTCTTCTTTACCTTGTTCTGTTTTCAAGTACTTTTGATCCAAGTTCCCGTAATGAG  
CTTCTTATAAGAAGATCATCCTCTTTATCTGATATGACATTGGGGTTCTCCATTGGCTATTTTCTATCAGATTG  
GCAATGGTCTTTGGCTTTTCCAGCTTTAGGTGGTTTTGAGTATATCGTGCATCATGTTTTATCACTGTTCTCA  
ATCATTCAATCCCTCCTAAGTGGCCAAGGACAGGTTTATATACTAATGGTCTTTTACAGAAAGCACAAACACC  
ATTTGTAAATCTTCGATGGTACTTGGACAATGCTGGCCAGAAGAATTCAAACCTCTACGTCATTAATGGAATTG  
CATTGTTTCTCGGGTGGTTGGTTGCCAGGATTCTCTATTATATATTTTTTTCGGTCACATGTTTAAACATTTCGA  
CCAGGTGAAAACGTATATCCTTTGGGGTTTTATAGCTTGCTGGCCGTGCCTCCCAAGGTGGCTATGATGAAT  
GTGTTTTGGTTTTGGAAGATCGCTAGAGGAATGATCAAACTCTCAGAAAAGCAAGGCACAGCAAATGATAG  
GTCTTTTTTAACCTGCTGCTTCTTTGTTTGTCTTGCAATGATGCTATTTAGTTGCTAAAACAAGCATAACTA  
GTATTAGTGTTTGTACTAAAGAAAAAAGGAAAAAGAAAGCTATTTAGTTGCCGACATGTAAAAGGTATAAACG  
TCGTTAATTTTAGGTACAAGAATGAGTATGCTTTTGGTGGTTAAACGTCGTTAATAGTTTAATTATTGACCAAC  
GATACTTTTTATTCAATTAAGATTGTGTTTCTTTGGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_431 XM\_002867484|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT4g26990/F10M23\_330, mRNA

AAGCATTTACGCAATACGCATAGGCATAGGCACGTAACGCAACAGCCAAAAACAACAACAACAACAACA  
ACAACGAACAACCTTTCTTCTTCCATTTCTTCTTCTTCTTCTCCATTAGATCTCCTTTCTTCTTTCTTCAACTCCGCC  
ACCTTTTCCCATTTCTGATCCCCATCTCTCTCTCTCTTTCACAAAACCTGGCATATGGGTTGCCGAAACCGTGA  
CTTTTCAGAAGATGAAACTTCTCTTCCACCCTCAGCGAAGCCCTTCTCTTCGCTACCATGTGCCTCATTGGACT  
TCCCGTTGAAGTTCACATCAAAGATGGTTCTGTCTATTCCGGTATCTTCCACACTGCCTGTGTCGACAATGAAT  
ATGGCGTTGTTCTGAAGAAAGCAAGGATGACAAAAAAGGGTAAAAGGAATGTGAATGTGGATGATGGCGTT  
GTAATCGATACTCTTATTGTTCTTTCTGGTGATCTTGTTCAAGTTGTTGCGACGGAGGTTATACTTCCGGCTGGT  
AGTTTTCCAAAAGTTTGGCTGGTTGTGATAACGAATCCAAGGCCAACGATCCTACTTTGTTGCATCCAACCTAC  
AGCAGCTAAGACATGTACAGAGTCATTCAAAGAGGGGAGTCAGGTTAATCAAACAAGTGACCTGGTCGAAGA  
TCAAATGGGTTTGCTCGTAGTTTCAGCGCCTACTGTAAGTGGGAAGCTAAATGATGTTAGACAACCTGTTGCAA  
GATAATGCTGAGAACAAACAGGGAGATGGACATCAAAAAAGGGAAAAGATAAATTGAAAAAGCTTGAAGA  
TGTCTCCGATGCTGGAATCAATTGGAGACAGGACTCAGATAACCAATTGAAAAAGGAGCAGGATGATCATGG  
TCAGGAATTTGACTTGCAAAAAGTAGTCAATGTTGATCGAGTTCAATCCTCTTTATCAAGTGAGAAACCCAGCA  
CTGAAGGAACCATCTCAGCTATCACTACTACGAATGCATTTTCAGTTGGTGTCTCAACTTCTTCACATTCTGCTG  
TGGATAGTAGCATGGACTCTTGTCATAGTTCTATGTCGTTGACTAATGACATCACTCCTTCTCATAAGGAGTTC  
AAGCTCAATCCCAGAGCCAACTCTTCTCTCCATCAGTTGCAAATAGCATCTCAGCAACTCCTGCAGCTCCAGT  
GGCTGCAAATGTGGCTTATATCCAAACAACCTACCAGTTCTACCTGTGCCTGTGCTCAACCAGAGGTGGAG  
TTCAGTCCTTTTGTACCTCGTTCACCTGTGCCTCCCACCAAGTTTGTCCCATATGGAACTCAATAGCTGGTTTT  
GGTGGCAACGTTCTCAATTTTCAACCCATGGTGGGACATGTGGGAACCAGGACGCGAGCCACTCAGATATGT  
TAGTCAGTATCCCTCCAGGCTGGTCCAACCTTTGGGCCCCCAATCTTTCGGCAGTATGGNTTGGTC

>trans\_c\_432 BT026476|Arabidopsis thaliana At3g55070 mRNA, complete cds

ATTTCCATTCTACCTTTCTCCAATACAATCCAAAGTTTTCTCTCCAATCCACGTCTCTTTGTCTATGGAGGTCTG  
ATTCCATTCCCAACGGCTCCGCCACTGAAACCGACATGCCAATACCGCCGCCGCCGCCGCAACAATCACTCCT

ACACCCTCCAACTTTACCGGATTGGCGGAGACTCTAAAGCTGGAACATCAGTTTCTTAGGGTTCCATTTGAGCA  
CTACAAGAAGACGATTCTGTGCTAATCATCGCGTTGCTGAGAAAGAGGTTTCTGCTGTTATATCCAGCGTCACT  
GAAGCCGCCGATCGCGATAATATGTCGACGGAAGAAGCTGTACATCACTTCAATTCATTGTATCAAGATTGC  
AGGGGTTGAAGAGAAAGTTGGAAGAGGGCAGTCGCACTGAGCAAATGCAAGCACAGAAGTGTCTGCTAGA  
CTAGTTCATTTAGAATCAGCTGATGCTGATAATTTGGCGGAATGGAACAGCACACGCTTGAAAAGGATCCTTG  
TAGATTATATGCTTCGGATGTCATATTTGAGACTGCAATGAAGTTATCGGAGAGCAGCAATATTCAGGATCTT  
GTTGACATTGATGTCTTTCAAGAAGCCAAAAGGGTTATTGATGCCCTTCAGAATAAGGAGATAGCACCTGCAC  
TTGCCTGGTGCCCTGACAACAAGTCAAGGTTGAAGAAGTCCAAGAGCAAATTTGAGTTCCAAGTGAAGGCTTCA  
AGAGTTCATAGAATTGGTACGAGGTGACAAGAATATGCAAGCTATTGCATATGCACGAAAGTATCTCGCTCCG  
TGGGGAGCTACCCATATGAAAGAACTGCAACGTGTCATGGCAACTTTGGCTTTCAAGAGTAGTACAGAGTGT  
GCCGTATACAAGGTCTTATTTGAACCAAAGCAGTGGGATCATCTTGTGGATGTGTTTAGACAAGAGTTCTGCA  
AAATATATGGCATGACGCTCGAGCCATTGCTAAATATTTATCTGCAAGCAGGCTTATCTGCTCTCAAAACACCA  
TACTGCTATGAGGATGATTGCACCAAGGAGGACCCATTATCACAGGAAAGTTTTAGGAAGCTGGCAGACCCA  
TTGCCTTACTCGAAGCAGCATCACTCGAAGCTTGTGTGCTACATAACGAAAGAGCTCATGGACACCGAGAACC  
CACCTCAAGTCCTTCCAAATGGTTATGTGTACAGTGCCAAGGCTCTAGAAAGAATGGCCAAGGAAAACAGTG  
GTAAATCACTTGCCCAAGAACAGGCTTTGTGTGCAACTATTCAGAGCTGATGAAGGCATACATATCATAGAA  
CTTGCAATATATTGGTAAGTGCAAATCACATTTCTATCATCTTTAACTTTGGTTCTTTACTAGTGATTATCAA  
TATGGCCCCATGAGTTTATGGAAATTGATATTTCAATGTGGGGTGAGGGGGAGGGGGGGCGAATATTTTTATA  
AAA

>trans\_c\_433 EU189948|Medicago truncatula SINA4 mRNA, complete cds

ACTTCAGAGACCTGGCAAAGAGAGGAACAGCACAAAGGGGGTAGAGACGACGAAGAAAAGAACCTCATCTTT  
CGGGTAAAAAAGGGTTCTTTCCCTTCCATTGATCTACCCCTTTTCTCTTTTCTGCCTTCTTTACGAATCCCTTGT  
GGGAATTAACAAGAGGGTTCTAAATCTTGATCGGTTCTTTGTTTTGGCTTAGTGGGTTTGTCTTAATTTCTAC  
AGATTTTGTGTTTTTGTGAATGGATTTGGATAGTATTGAGTGTGTTTCATCTTCAGATGGTCTTGATGAAGAT  
GAGATCCATCTGCATCATACTCTTCATCCTTATTCTCTTCTCACCATCATCCAGAGTTGTGACGCGACCAAGCCT  
CGTAATGGAAGCAATAATAGCGGTATAGCAGTCCCCACTGCGACTGCACCTGCTACTAGCGTTTCATGAATTGC  
TTGAGTGCCCTGTTGTACCAATTCTATGTACCCCCCATCCATCAGTGCCACAATGGACATACCTTATGTTCTA  
CATGTAAACACGGGTTCTAATCGTTGCCCTACTTGTAGACAAGAGCTTGGAGATATTAGGTGCTTAGCATT  
GGAGAAGGTGGCAGAATCACTTGAATTGCCTTGCAAGTATTATTCATTGGGGTGCACTGAGATATTTCCCATAC  
TACAGTAAGCTTAAGCATGAGGCATTGTGCAACTACAGACCCTATAGTTGCCCTTATGCTGGGTGCGAATGCT  
CTGCTGTTGGGGACATTCTTTCTTGTGCCCATCTCAGGGATGACCATAAGGTGGACATGCACACTGGCTG  
CACATTTAACCATCGCTATGTGAAATCCAATCCAAGGGAAGTGGAAGTGGCACTTGGATGCTTACTGTTTTTC  
ATTGTTTTGGTCAATATTTCTGCCTTCACTTTGAGGCTTTTCAGCTTGGCATGGCTCCAGTGACATGGCTTTCC  
TCCGTTTCATGGGCGATGAGAATGACGCCCCGAACGTACAGCTACAGTCTCGAGGTTGGTGGATATGGGCGAA  
AACTGATATGGGAGGGTACACCACGAAGTATTAGAGATAGTCATCGAAAAGTTAGGGACAGCCATGACGGAT  
TAATTATCCAAAGAAATATGGCTCTTTCTTCTGTTGGGGACAGAAAGGAACTGAAGCTGAGGGTTACGGG  
AAGGATATGGAAGGAACAAAACCCGGAAGCTGGTGTGTCATACCAAACCTTTGTAGCTAAAATTGAAGTGT  
TACTTAATGCCCGCTTTCTTTGTGTTTTTGACAGTATTTGCTTTGTACCTATTCTCATATATTGTAACGGGTG  
ATATTTTTTAATTGTATATACTTGAGAATTCTTGATCTTCCAATCTATAATGGTGCCAAAGTTGTAACGTTCACT  
AACTTATAAGTAGATTTTCGTGCATCCCTGCTTGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_434 AJ315663|Cucurbita maxima partial mRNA for Gibberellin 2-oxidase (ga2ox gene)

ATCCACATTGCATTGAGTGAAGAAAATAAAGAACTTTAAACTCAAAAAGGCTCTCTTTTTTGCAAAAATCTCTCA  
CACCCTTTTGTTCTTCCTCTGTTTCTTTAAACAAGAAAAAGAAAAAAGGGAGACTTTGCTTCTCCTTCTTCT  
TCGTTCTTCTCTCAAAATTTCCATACCCAAATCCAATGGTGGTTTTGTCCAAACAGTCAATCCAACAGTTGTCT  
TCTAATTCCTTCATGAGAAATTCATGGCTTCTGCTGCTTCTTCTCTGCAGCATTTTTCTCTGAGGTTCCACTAA  
TAGACCTTTCTTACCAGATGCTAAACAGCTCATTGTTAAAGCCTGTGAAGAACTTGGTTTTTCAAGGTCGTC  
AACCATGGCGTTCCTATGGAATTTATCTCCACTCTCGAATCAGAATCCACGAATTTCTTCTCCCTTCCCCTCTCTG  
AAAAACAAAAAGCTGCTCCTCCTTCCCCCTTTGGCTATGGCAACAAACAAATTGGCCGAATGGCGACGTGGG  
TTGGGTGCAATACATTCTCTAAACACTCACCTAGAATCCAATCCGATGGGTTCTCTCCATTTTTGGCCAAGA  
CCCACAGAACTCCGCTCTGCTGTGAACAATTACATATCAGCGGTGAGGAATATGGCGTGTGAAATCCTTGAG  
TTAATGGCGGAAGGATTGAAGATTCAGCAGAGGAATGCGTTTAGTAAACTGGTAATGGATGAAGAGAGTGA  
CTCAGTTTTTAGGGTGAACCATTATCCGCCATGTCCACAGATTCAAGCTTGAAAGGGATGAACATGATTGGA  
TTTGAGAACATACAGACCCACAGAATATATCAGTTTTAAGATCAAATAATACTTCTGGACTTCAAATTTCTCTT  
GCTGATGGGAATTGGATTTCTGTTCTCCTGATCAAACTCCTTCTTCATCAATGTTGGTGA CTCTTACAGGTG  
ATGACTAATGGAAGATTCAAAGTGTGAAGCATAGGGTATTGACAAACAGCTTGAAGTCAAGAATTTCAATG  
ATATATTTTGGTGGGCCACCATTAAAGTAAAAAATAGCTCCTTTGCCTTCACTTATGAAAGGAGAAGAAAGA  
AGTTTGTACAAGGAGTTTACTTGGTCAGTACAAAAGATCAGCTTACAACCTCCAGGTTGGCAGATAACAGGCTT  
GTTCACTTTGAAAGAATTGCAGCCTCATAACATATATTATATCCCCTCACCAATTCCTTCTTAATTTTTTCTTT  
CCTTCATTAATTAATTAGCTACCCCAAATGTTCTTTCTTTCTTTTCTTTTCTTCAATTCTAAAATTAGGTTTTA  
GGGCAAATCGGTTAGCGAACGTCGACGCCTCAATCGGTTTGCAATTGGATAGNTTGGTTTTGTTTGCTCTTC  
TTTGTAATTATACCTATCTTTTTATTTCTTCATAATACAAAGTCTACCCATGTTT

>trans\_c\_435 AY097357|Arabidopsis thaliana AT4g36780/C7A10\_580 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCCCCACCAATGCGACA ACTATTTTTATTTTTCAATAATTTAAAAAAA  
AAACAAATCAAAACATATACTTAAAAATAATAAAAAGAAAACTCGGCCCTGCAGAATTCACAGAAATGCCCT  
TAAAGAAGAATCTAAAAGTGCGGTTCTTGTGAAGAAGTTCAACAAAGAACGCGCTCTTCTCGTGAAGTTAGC  
TTGGTGGTGCGTTGCAGTACTTTTTTACACGCTCTGTTTCTCTCTCCCTCTCTTTACCAATCCAAAATTCCT  
CTCCGATCGAGAGTAAACCCTAGTAGGTGAGAGAGAATGAGCAGAGGTTCCACGCCGGAGCTGGATTGCAG  
GAACTGAAGATTCGGAAGCTGCAACACAGGGATTTGTTGTTGTCTCAAGAAGTCATGACGGGGCCGAGGATCA  
TCGGGAAGGACGCCGACATGGAAAGAAAGGGAGAACAATAAGAGGAGAGAGAGGGCGACGGAGGGCCATT  
GCTGCTAAGATCTACACTGGCCTTAGAGCTCAAGGGA ACTATAAGCTTCCTAAGCACTGTGACAACAACGAAG  
TCTTAAAGGCACTCTGTAATGAAGCTGGTTGGGTGGTTGAGGAAGATGGCACAACCTATCGCAAGGGATGCA  
AGCCACCTCCGATTGATATTGACACTTCTGCTAATATGAGCGCCTGTTCTTCACTACAACCGAACCCGCAATCTT  
CATGCTTCCCAAGTCCTGTACCATCGTACCACGCCAGTCCTTCATCATCCTCTTTTCCAAGCCC GACTCAATTAG  
ATGGGAATCCATCTTCTTATCTTCTGCCATTTCTTCAAAATATATCCTCTATTCTGCTAATCTACCTCCTCTTAG  
GATATCCAACAGTGACCTGTACGCCACCTCTTTCTTCCCCAACTTCAAGGGGTTGGAAGCGAAAGCCAGATT  
GGGAGTCCATTCCAAATAGCTATGTGACCTCTTCCGTCATCCACTTTTTGCTGTCTCTGCTCCCTCAAGTCCTA  
CAAGATGCCACCATCTTACACCGGCAACAATTCCAGAATGTGATGAATCTGATGCTTCAACTGTAGATTCTGGC  
CGCTGGGTCAGTTTCCAGACTGTGGCACCTTCTGTGGCTCCTCCTTCGCCTACATTTAATCTGATGAAACCGGT  
TAGCCAGCAAACTCTCTCAAGATGCAGTTGACAGACATGGAACGATGGGCTGGGGTGCTACATCTGATAG  
GACACGTGGCTCTGAGTTTGAATTTGAGAAATTTGAGAGTGGCACAGTGAAGCCATGGGACGGTGAGAGAAT  
TCGTGAAGTTGGGGTTGATGATCTTGAGCTTACTCTTGGAGGTGGGAAGGCCCGTGGTTAAGCATCCCCTTGA  
AGATATTTATTTCAAGAACTTAAGTGCCTGCTCCTTAAGGTTATTGGTTTATGTTACAAAATACGTT

>trans\_c\_436 BT025872|Arabidopsis thaliana At2g21260 mRNA, complete cds

GACAAACAAGAGAGCTCAGCTATTGTGGAACCAGAAGAACCCATTGAATTGATTGAAAGAACAAAGCTCCGA  
TAAAAAAAAAAAAATGGCGATAACTCTTAACAGTGGGTCAAGATGCCAGTGATCGGGCTTGGAGTTTGGCGT  
ATGGAGAAGCAACAAGTCAGAGACCTCATTATCAACGCCATTAAGATTGGTTATCGCCATTTTGAAGTGCGCCG  
CTGATTACAAAAATGAAGCTGAGGTTGGGGAGGCGTTAGCAGAAGCTTTAAGAGTGGACTTGTTAAGAGGG  
AAGAACTTTTCATTACCACAAAACCTCTGGAATTCAGACCACGGACATGTTCTTGGGGCTTGCAAGGACAGCTT  
AGAGAAGCTTCAATTGGAATATTTGGATCTATACTTGGTGACTTCCCAGTTGCCATAAAGCATACAGGAGTC  
GGCAATACTAGCAGTGAATTGGCTGAAGATGGGATATTGGACATTGATACGACCATATCTTTAGAAACCACTT  
GGCATGCCATGGAAGATCTAGTTTCTAGTGGTTTAGTTCGGAGCATTGGAATCAGCAATTACGACATATTTTTA  
ACCAGAGACTGTTTAGCTTATTCAAAAGTGAAGCCTGCTGTGAACCAAATTGAAACGCATCCTTACTTTCAAAG  
AGAATCTCTCGTCAAATTTTGTCAAAGCATGGAATTTGTGTACAGCTCATACTCCTTTAGGGGGTGTCTGTG  
CTAACAACGAATGTTTGGTACAGTTTCTGTCTTGAAGATCCAGTTCTTCAAGAACTTGCCAAGAAATATGGG  
AAGAGTGTCTGTCAAATTGCGCTGAGGTGGGCCATCAAAGGAACACCGTCGTGATACCAAAAACGTCAAAA  
CCTGAGAGATTGGAAGAGAATTTCCAAGTCTTCGATTTTCAGATTGTGAAAGAGGATATGGATCTGATCAACG  
GAATCGACAGGAAATATCGAACAACCAACCTGCCAGGTTCTGGGGCATAGACTTATATGCTTAGGAGGTAG  
TGCATAAACTCTTATCTTATAATCGGTTCTTAAATGCTCTCTGTTGTTGAAATGGATAATGATGCCTTAAGCCC  
AACTTTTGAAGTGTTCCTCTGTCTTGTGTTCCCTAAAAAGCAGTAAAAAATCTTCCACTGAGAAGCCGGTTT  
CTTTAGGTCAGTTTGCTTACATTCTCGTTTGTTTTCTGTCTATCGAATAAACATAAACAGTTTTCTTTATCTTTTCT  
TTTCTCAGCAGTTGTTTTATCTTGTCTGTTGTTCATTTTACAAAATGGTAATCTGGGAGAGATTTTTACCCGG  
GAAAAATAATGCAAGGATTCTGGTGTGACGCTGCTAATTGGTTTGTCTTTTGTCTTGTGTTTCTTTCTGTAA  
ATGAAGATCCCTTGTGTATGGAAAAACAATGTTGGTCTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_437 NM\_106517|Arabidopsis thaliana brassinosteroid signalling positive regulator-  
related (AT1G78700) mRNA, complete cds

ATTTTTCACGGAAGTGTTCCTTCTCTAATTTCCCGGGCTTTGTCAAATAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAGAAGAA  
GAAGAAGGGAAAAAAAAAAAAAGAAAAACACTTCTCCGCCGTTACGGTGGTCCATCTAAGATCCGATCGCC  
GTCTCCAATCACCTTCTTCGGCAACCATCTGATTCTGATATCTATCACTCTCAGTTCTTCTTGTTCGTTGTTTA  
ATTTCTTGTCTGATTTATCCAGCGGTCTTTGCTTTTCTTTCACTTTGTTCATTGATTGTTACAGAGTCTCGAGGA  
ATTTCCGTTTTCTTAGACTTTGTCTTTCGTGTCCGATTTGTTTACTTTGAAGTTGCGAAAGACGTTTTCACTGT  
TCAGCTTCTTCCGTGTCTCGATCCTTGAAGTCTGAGCTGATTTCTTTTGAAGATTTATCTCTCTCTCCTATGAAAT  
TTTGTGTTGTGATTGTAGTTGAATCGTATTGCTCTGAGATAGACGGAGGCAATTCGAAAGAATTGCTTCTGAT  
CTATCGGTTGAAGCTGTTTGAAGTTGATTGTTGGTCTGAGTGTGTGTGTGTGTGAGAGAGAGAGAGTGTG  
TGTTGGAGATGACGTCGGGGACTCGGCTACCGACGTGGAGGGAGCGGGAGAACAACAAAAGAAGGGAGAG  
AAGGAGAAGAGCTATTGCGGCAAAGATCTTTGCTGGACTCAGGATGTACGGGAACCTACAAGCTTCCCAAACA  
TTGCGACAACAACGAGGTCCTTAAAGCTCTCTGCAATGAGGCGGGATGGACCGTTGAACCCGATGGCACCAC  
TTACCGTAAGGGATGCAAGCCAATTGAACGTATGGATGTGGTTGGTGGATCGGCAGCTGCAAGCCCGTACAC  
ATCTCACCAACCAAGTCCTTGTGCTTCTTCAATCCAAGCCCCGGTTCATCTTCTTTTCTAGTCCAGCATCATCC  
TCATATGTCGGTAATCCAAATACCGATGGAAGTTCACTTATCCCCTGGCTGAAAAACCTTTCAACGTCATCATC  
TTCGGCATCCTCGTCTAAACTCCCAAATCATTATATTATGAGGTTCCATCAGTGCTCTGTACTCCTCTCT  
AAGTTCCCCAACTGCTAGAACACCCCGACTCAAAGCTGACTGGGAAGACCAATCTGTCTTACCAGGATGGAGT  
GCACAATACTATTCTCCAGCCATCTTCACTCCACCAAGTCCTGGGCGTCAGATTGTTCCCACTCCAGAATG  
GTTTGTCTGGCCTTAGAATTCCTCAGGGTGGACCCAATTCTCCAACATTTAGTCTTGTCTCCACAAACCCATTGG  
TTTCAAAGAAGCAGCAATCACTGGTGGAGGATCTCGCATGTGGACCCCTGGTCAAAGTGGGACCTGCTCTCCT  
GCCATTGCAGCGGGCTCTGATCACACTGCAGATATTCCATGTCAGAAGTGATCTCTGA

>trans\_c\_438 NM\_103989|Arabidopsis thaliana plastid-lipid associated protein PAP / fibrillin family protein (AT1G51110) mRNA, complete cds

ACTAAAGATAACAAAAAATCTGGGCGCGTACCTCACCTCAGCTTCCTCTGTTTTGCCTTTCACCCCATTAATGG  
CTCTTAAAGCTAATGCCATGACGCCCACATATCTTCACCGTTCATTCTTCACTCCTCACACTCCATCTCTCCCTCC  
GATCAAACGCTACCATCGCCATCACACACATATTCGTCTCCGTTGTCGATCTTCACTTGTTGATGAGCAGCAGA  
AAGAAGTTGTCTCGTTTTCTGAACCCGAAAATTCTCTCATTGATGCTCTCATTGGTGTCCAAGGTCGAGGCCGC  
TCTGTTTCGTCTCAGCAGCTCAGCAATGTCGAACGGGCTGTCAGTGTTCTTGAAGGTTTGGAAGGCGTGCGAG  
ATCCGACCAACTCTAGCTTAATTGAAGGACGTTGGCAGTTGGTATTCACTAGACCGGGAACAGCGTCCAT  
AATACAGAGAACATTTGTTGGAGTTGATTTCTTCAGTGTTTCAAGAGATATTTCTACGGACAAACGACCCAC  
GAGTCTCCAACATTGTTAAATTCTCTGATGCAATCGGAGAGCTGAAAGTAGAGGCGGTTGCATCAGTCAAAGA  
TGGCAAACGCATCCTTTTCCAATTTGACAGAGCAGCATTTTCTTCAAGTTCTTGCCCTTTAAGGTCCCGTATCC  
TGTACCGTTCAAACCTTCTTGAGATGAAGCAAAGGGCTGGTTGGACACCACATATTTATCTCCCTCGGGTAAC  
CTCCGCATCTCAAGAGGAAACAAGGGCACCACGTTTGTGTTGCAAAAGCAAACAGAAGCAAGACAAAACCTTA  
CTGCTAGCAATTTCTACAGATAAAGGAGTTGAAGAGGCAATTGATAAGCTCATCTCTGAGAATCAGAATGAAA  
ATAAATTTGAAGAGGAACTTCTCGAGGGAGGATGGAATATGTTATGGAGTTCACAGATGGAAACAGATAGTT  
GGATAGAGAATGCTGCAATGGTCTCATGGGGATGCAGTTATCAAGAACGGGCAAATGAAGTTTGAGAGTG  
GATATGTTGCTAGGATTGAGATTCTCCATGATTGGTTCACCTGTGAAATCTGGAGACAACGCATACGATGTAA  
CCATGGATGATGCTGCAATTATTGGAGGCCCTTTGGATATCCTTTGGGAATGGAGAGCCGGTTCAAGCTCCA  
ACTTCTATACAATGATGGCAAGATTAGAATCACACGAGGATACAATAACATCTTGTTTGTTTCATCTACGGGTGG  
CTGAATCAAAGCAGGTGTAAGAAGACTTGTCAAAAGAAGGAAGCCCTTGAGGCTAGGAACCCGTGTATAGTA  
GTAGTAAGAGATGTTCCCGCGCTTTACGATGTATATTCGTGATTAAAGTTATAAAAATCTCGAACATCAAA  
ATTTACCCATCCTTTCAATAAAGAATTTCAATCTCAGATTTTATTAATTAACGGAAGTATCTAAC

>trans\_c\_439 AJ271728|Arabidopsis thaliana oasB gene for O-acetylserine (thiol) lyase B, exons 1-10 and cnx6 gene for molybdopterin synthase, large subunit

AATAGAAAACAACGAATGCAATGGCCAAAGGCAGCCCGTTGATTGGCGCTCTTATCTCACCTAGAAGCGTA  
GCCCACACACACCGGAGAAATCTCTACGGGCCGGATGATGGTGGATTTCGGGTTCTTACAATTGTAGAATCAT  
CTTCATCTTCACCGCTTATTGCAGATTATCCCTAATTCGTATGCAGTTCAGGTATCATTGGATTCAAAGAACTG  
TGTTTCCTGGATTTCATGGACCGAAGCTGAGAGTAGAGAAGATTCTTTCTTTTCATGAACTGAACACGATCA  
GCTGGAGTTGAAATAAAAACGTAGCAGATTTGGTGAAGAATGGCTTCGGAGGAGAGAACTCTTGTTGAAATT  
TTGGAAGAGAACATTCCCATAGACATGGCCAAATACATCACGTTTCGTTAGTGCTCCCCAGGCTGGCGCTATCT  
CTACATTTTCAGGTACTACTCGGGACAATTTGAAGGCAAGACGGTGGTGAATTGCGGTATGAGGCTTATGT  
ACCAATGGCTATCCGAGCATCAAATCCATATGTTTCATCAGCTAGATCGTCTTGGAACCTCCATTCGATCGCAG  
TTGCCACCGCCTAGGTCCTGTTCTGTTGGGGGGGTTAGCGTTTTTCATTGCTGTTTCAGCTGTTTCATCGTGCT  
GATGCTATGGATTGTTGCCGTTTTGTGATTGATGAACTTAAGGCTTGCCTGCCAATATGAAAAAAGGAGGTTT  
ATGATAATGGGGAGGTTTGAAGGAGAATTCTGAGTTCACGGATAGAAGATTGGAGCTTGTGAATAAGGAA  
GGACATGATCACGATGAAAATGAACTGCAGTTGTAAGGCATAACAGGAAAAGCTGCTGTGGCTCAAAGGTT  
AAGGCAATGAATGAAGAACCCGCCAACTGTATTATTAGGTCAGATCATGAAGAAGGCAACCAACACAAT  
GTTAAGAATGAAAATGAAAATGAAGAAGCTCAACTTCAAAGGAATATCAGGAAAAGCTGTTGTGGTTCAAAG  
GTTAAGCTGAATGAATGAAGAATCTTAGACATCTGATGCATTAGCTGTTTATGGGGGTTTTTAGGATATTATTG  
TATTTAGCTACACACTCAAACTCTTGTTATTCTATTATTGGTGGTTTTCTTATACTATTTCTTAATCATTCT  
GATAGCACCTACTTGTTCTTGCTTCAAATCCTCTCACTGAAACAAATTACACCCTCTTGAGTCTAGTCAAGCC  
CTACTTTTGGTTATTGGCCCCACCGATGAAGAACAAGCTTGGATTGTTGATGGAACATTACTCGGCCTTTTGG

AGAACTGCTACAATCTTGGATTATTTGCAATAGCATCGTAGATATGTCCATGGTCTTGGCTTGACCTACAAAGA  
GTTTCTTTTTTCCCTTCGTAACGAGTTGTTTTGCTTTTCTGATTCAAGAGATTATTGTTATTCCATT

>trans\_c\_440 NM\_001068752|Oryza sativa Japonica Group Os08g0512300 (Os08g0512300)  
mRNA, complete cds

CTCTTTAGGTGGAGCTCCGACCCGATCAGATGGGGGAACTGGCAACTGAGAAGCATGTTCAATACATATTAT  
CTGTTGAAAAGAGAAAGGATGATTTTCAATCTGTGGTGATGGAACATCTAAGGATGAATGGTGCATACTGGG  
GGCTGACTGCACTGATATTCTTGAAAGCTCAATATTGTTGATGCTGATGAAGTTGTTTCATGGGTAATGTCAT  
GCCAGCACGAGTCAGGTGGTTTTGCTGGCAATGTTGGACATGATCCGCACATACTTTACACCCTTAGTGCTGT  
GCAAGTTTTACCTCTTTTTGACAAGCTGGATGTTTTAGATGTTGATAAGGTGACAAATTATGTCGTTGGCCTTC  
AAAATGAAGATGGCTCCTTTTCCGGGGATATTTGGGGTGAAGTTGATTCGAGATTTTCATATATTGCAATTTTA  
TGCTTATCGTTGTTACATCAATTGGATAAAATCAATGTTGAGAAGGCTGTGAACCTCGTCGTTAGTTGCAAAAA  
TATGGATGGTGGTTTTGGCTGTACACCTGGTGGAGAATCACATTCTGGGCAAATTTCTGTTGTGTTGGCGCTC  
TTGCTCTTACGGGTCTTTCACCATGTTGACAAGGATCTTCTGGCTGGTGGTTGTGTGAGCGGCAAGTTAA  
ATCTGGAGGTCTTAATGGTCGCCCTGAAAACTCCCTGATGTCTGCTATTCATGGTGGGTTCTTTCTAGCTTGA  
TCATGATTGACAGGGTCCACTGGATTAATAAGGAAAACTGATCAAGTTCATCTTAGACTGCCAGGATACCGA  
AAATGGAGGAATTTCAAGATAGACCAGATGATGCTGTTGATGTCTATCACACATACTTTGGAATAGCAGGACTT  
TCACTTCTTGAATATCCATCGTTGAAAGCCATAGATCCAGCATACGCTTACCAGTCGATGTCGTGAATAGGAT  
TCGTCTTGGGAAAAGGCATGCTATCTAAGAGCGTTATATCTTTTTTCCAAGTCCGGTAACTTCAATCAATTCCA  
TATCAGTCTTTATTTGATGATGGGAAGACATTTTATTAGTAGTCAAATTTAGGTGTTGGACCATGAGTTTTGGT  
CCGATATAGGTCTTAGACTTGTGAAGAAAGGTGAATCATGTACTGTATTGTAGGCCAATAGTCAATTGTCAT  
GGCAGGATTTGATCAAAGTACAATGATCTAGAAATTGCCTATTGATTTACGTTTTCAAGGTAGAGGTACATTTA  
TCTTTTTGCTCAATAGGGACTTGTTATATCATAGGATAGTTAGTGTTCTATTGTTCTGTTCTGTCATTATTTACT  
TATTCACTTTCTTATAGATATTGAGCATTAGTCTCTTTTTGGTCACTTGTTGAAAGAAAAACCTATAAGATGTT  
GTGATAGTTTAAATCTCTGTTTGATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_441 EU639448|Solanum lycopersicum D-cysteine desulfhydrase mRNA, complete cds

AAGACTGAAAGCAAGCAACACGACGAGCTCCCCAACAGCCTCAACTTCTCTCTGTCAGACCTTACGTCCCTCC  
GTCTTGGGCCCTCACACCTTAATCCAATCCCCACTCACCTTTCTTCTCTTGCCCGTCTTCCCACTCCCATTACAAG  
TGGAACCTTCTAATCTGCCCAACAACACTGAGGTCTGGCTCAAGCGTGATGATCTTTCAGGAATGCAATTGA  
GTAGAAATAAAGTCAGAAAATTAGAATTCTTGATAGCAGATGCTTTGCAACAGGGTGCTGACTGTATTATAAC  
TATAGGAGGCATCAAAGCAATCACTGTCGTGCTACTGCTGTGGCTGCGAAGTATTTCAATCTCGACACTTATC  
TAATTCTACGCACCTCAAAGGTCCTTGTAATGAAGACCCCGGATTGACTGGAAATCTTCTTGTTGAGCGGTTA  
GTTGGAGCTCATGTCGAGCTTATCTCAAAGAAGAGTACGCAAAAATTGGAAGCGTGGCACTAACAGATTTTC  
TGAAGTCAAAATTAGTTGCTGAAGGAAGAAAGCCGTATGTTATTCCTGTTGGAGGATCAAATTCCTTGGAAC  
TTGGGGCTACATTGAAGCAATTAGGGAGCTTGAACAGCAACTGGATTCTGGAATGGCAAGATTAAGTTTGA  
TGATATTGTAGTAGCTTGTTGGCAGTGGGGGCACAGTCGCTGGTTTATCATTGGGATCATGGTTGAGCACATTG  
AAGACAAAAATTCGTGCGTTCTCTGTTTGTGATGATCCTGATTACTTTTACGAGTTTGTTCAGGTTTACTTGAT  
GGGCTTCATGCTGGTGTTGACTCACGCGATATAGTAGAAATACAAAATGCAAAGGGTCTTGGCTATGCAATCA  
ACACGCCCCGATGAGCTTAATTCGTAAAAGAAGTTGCCGAATCCACTGGCGTTGTTCTTGATCCAGTATACAGC  
GGGAAAGCAGCTTATGGTATGATGAAAGACATGGCTGAGAATCCAAAGAAGTGGGAAGGCAGGAAGATCCT  
GTTCAATCACACAGGAGGACTGTTGGGACTATATGACAAAGCTGATCAGATCAGTTCAACGCTGGGGAAATG  
GCATCGTTTGGACGTTAATGAGTCTGTGCCACGAATTGATGGAGTTGGGAAAATGTTCTAGAACAACCTCGGGT  
CAAAAAGTGAAGCCACTATTGAAAAACGGGTGCTTTAAGATTTCTTATCAGACATCTTAATTATTAGGGGTTCCG

AATATATTGTTATGGATTATTGAAAATCCAATAATATATACCTTGTCTTTATTTTTATTTGCTAGACATATCGTG  
AATGCCAATTCGTGCAGTATTCGATGAATAAAGCACCAATTGCCATTTTGAATATCGATGGTTCGGTACGTAAA  
TTGTTGAAAAAATAAAAAATAAACCTTGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_442 AY040533|Gossypium hirsutum leucine-rich repeat resistance protein-like protein  
mRNA, complete cds

ATGGCAGGGGGAGGATAGGAACTGAAAATGGGGACCAATTTCCATTCATACCCTTCTCCCTCATCTTCTTCCT  
TTTCGCTCTTCCTCATCAATTTGTTCACTGCAAAACCTTGAAACGCGATGTGAAAGCTTTGACTGAAATCAAAG  
CCTCTCTCGGCTGGAGAGTGGTGTATTCTGGGTAGGAGATGATCCATGTGGTGGTTCTCACCTTCCACCTTG  
GTCCGGCGTTACCTGTTCCACCCAAGGAGACTACAGAGTCGTCACTGAATTAGAAGTCTATGTGGTTTTCTATTG  
TTGGACCTTTTCTGTTGCGGTTACCAATCTCTTGACCTTACTAGGCTGGATCTTCATAATAACAAGTTGACTG  
GACCAATTCCTCCTCAAATTGGACGGTTAAGACGTCTCAAATACTGAATTTAAGGTGGAATAAACTTCAAGA  
TGTCATCCCTCCTGAGATTGGTGCCTAAAGAGCCTAACTCATTTAAATTTGGGTTTTCAATAATTTCAAAGGAG  
AAATCCCCAAAGAACTTATTAATCTTCGTGAGCTCCGCTATCTCCATTTAAACGAAAATCGCCTTTCAGGGAAA  
ATTCCTCCTGAACTGGGCACTCTACCCAATCTTCGTCACTGGATCTTGGCAACAACCATTTAGTAGGAACCAT  
AAGGGAATGATTCGCCTTGAGGGCTGTTTTCCATCACTCCGCAACCTGTACATCAACAATAATTACTTTACTG  
GAGGAGTTCCATCACAGCTTGCGAACCTCACTAACTTGAAATTCTGTACCTCTCCTACAACAAGATGTCTGGG  
ATAATACCACCTGGCGTTGCTCATATACCTAAGTTAACTTATCTGTACTTGGATCACAACCAATTTAGTGGAAG  
AATCCCTGATGCCTTCTATAAACACCCATTCTTAAAAGAGATGTACATTGAAGGAAATGCATTTCCGCAAGGT  
GTCAAGCCAATAGGTTTCCACAAGGTTCTGAAGTTTCTGATTCTGAATTCCTGTTTAATTAGTAAGTTGAACA  
GGGATCGTAGCACTGCTTTCACAGTGGATTTGATTCCAGAGCATGGTAGGCATCTCGTTGAAATATTATCCTT  
GTGCAGAAGCTATGCTAATCTTTTGTATCGTTTCATAATTATCTAATGCCTCCGAAGGGAGTAGAAGTCTTGT  
TTGTGTTTACACGTACATCCAAATAGCCAAAATCTGTATTGGGATGTTGTCTTTATTATAAACTTAATGGAAGA  
GCTAGGTAAAGTTGGGATGTTTGAATGTATATAGAAGCATGATGCGGTTGTTAGATTAACTTTACTATAA  
ACGATGTTCTTCATGTTAAGTGCTGTATCCTGGTTGTGTTTGGTTTAGCGGGACACTATTTGTAAAGACAATT  
AAATGAAATGCTTCTTTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_443 NM\_202845|Arabidopsis thaliana CYP707A1; (+)-abscisic acid 8'-hydroxylase/  
oxygen binding (CYP707A1) mRNA, complete cds

ATCCTCCTTCCTTATATTTTTCTCCCTTCAAACAACCTCTACTACTTCTAACTTCTAACCATGTACGTCTTCCTC  
TCCCTCGTTGCCTTCTTCTCCTTCTTTTCTTTCGTTATCTTTTCAAATTCTCTGCTCCGGCTACCCGGAACTTCC  
CCTTCCCCCGGGTTCATGGGTTGGCCCTATTTGGGTGAGACCCTCCAGCTCTACTCTCAAGATCCCAATGTCT  
TCTTTGCTTCAAAAAAGAAGAGATATGGTCCAATTTTAAAGTCGCATATATTGGGGTATCCTTGCGTGATGCTT  
TCTAGTCCTGAAGCTGTAAAGTTTGTATTGGTGACTAAAGCTCATCTTTAAGCCTACATTTCCAGCTAGTAAA  
GAGAGGATGTTGGGAAAAAATGCTATCTTTTTTTCATCAAGGTGATTACCATGCCAAATTGAGACGTCTTGTTCT  
TCGAACTTTCATGCCTGAGGCGATTGCAAACATCGTCCCGAGTATCGAATCCATTGCTAAAAACACCGTTCAAT  
CATGGGATGGACAATTGATTAACACCTTTCAAGAAATGAAGATGTTGCGATTGAGGTTTCGTTGCTTTCGATA  
TTCGGAAAAGACGAAGCTCTTTATTTGAAGACCTCAAGCGATGCTACTACATTCTTGAAAATGGCTACAATTC  
GATGCCGATTAACCTCCCCGGAACACTCTCCACAAGGCCATGAAAGCAAGGAAAGAGCTAGCACAAATACTA  
AAACAAAATCCTCTCAACAAGAAGGGAAATGAAGCGCGACTACGACGACCTCCTTGGATCTTTCATGGGCGA  
AAAAGAAGGCCTACCGACACACAAATCGCCGATAACGTATCGGTCTCATCTTCGCTGCTCGCGACACCACC  
GCGAGTGTCTAACATGGATCTTAAATACCTAGGAGAAAACCAAGTATTCTCAAGCTGTAACAGTAAGAA  
TGATCTCTCAATTTCTTAACCAATTTCCACTTCATTCTTTGAAAAAGTTCAGAAATTTGATTCTCCTCTGTTTTCT  
GGGTTTGTAGGCTGAACAAGAATCAATAATGAAATCAAAGAAAATGGAGAAGATAATCTCACATGGGCTGA

CACCAAAAATATGCCAATAACTTCAAGAGTAATTCAAGAACTCTAAGAGTGGCTTCAGTTTTATCATTTACTT  
TTAGAGAAGCAGTGGAAGATGTTGAATTTGATGGTAAGTAAAAAGAAAACCCAAAAAAGTTAGTTATTTAA  
ATTATGAAATTAACCCCTTTTCTTTACTTAAATCTTTTTCTTCTAAATTTGTTATTTTGCAGGATACTTAATTC  
AAAAGGATGGAAAGTTTTACCTTTGTTTCAGAAACATTCATCACAGCCCAGAAAATTTCCCTCAACCTGAAAAAT  
TTGATCCTTCAAGATTTGAGGTAAAAATAATAATAATAATAAAAAAGG

>trans\_c\_444 EU106853|Gossypium arboreum strain DPL971 adenylyl cyclase-associated protein  
(CAP) mRNA, complete cds

AACACCACCCTTTTTACTCAATCGATTACTGGAACACCCACCATTGTTTGTCTCTCAGATCTGAGCTTATTTTCTT  
TCCCACATAAGGGAAAGACTGAAACACTTCTGGGTTTCAACCAACTATGGATGAGAAGCTGATTGAGCGGTTG  
GAATCGGCTGTAGCTCGGCTTGAAGCCTTGTCTACTGGATTCCGCCCCGGTGGTGCACCGGAGAGTGGCGAG  
GATGTGGTGACTGACCCCTCTATTCTTGCTTTTGATGATCTGATGGGGCAGTACTTTGCAAGGGTTTTAAGTGC  
TGCGGAGAAGATTGGAGGGCAGGTTCTTGAGGTAAGTAAAGATTTTAAAAGAGGCATTTTCTGTTTCAGAGGGA  
GCTTCTTGTTAAGGTCAAGCAAACCTCAGAAACCTGACTTGGCGGGCTTAGCTGAATTTCTGAAGCCATTGAAC  
GAAGTTATTATGAAAGCAAATGCACTCACAGAGGGAAGGAGGTCTGATTTCTTCAACCATTTGAAAGCTGCAG  
CTGATAGTCTATCTGCACTGGCTTGGATTGCATTACAGGAAAAGACTGTGGTATGAGCATGCCATTGCCCA  
TGTTGAAGAAAGTTGGCAAATGGCTGAATTTTACAACAAAGTTCTTGATAGGTACAGAAACAAAGATCCAAAT  
CATGTTGAGTGGGCCAAAGCTATAAAGGAACTCTATTTGCCAGGTTTAAGGGACTATGTCAAAAGTTTCTATC  
CTTTGGGTCCAGTATGGAGTGTTACTGGGAAAACAACTGCTTCTGCTGCTCCTAAGGCTTCTCCTCCTCCCCCT  
AAAACATCAGCACCGGGTGCACCGGCCCCACCTCCACCCCTCCAGCTTCACTATTGAGCTCTGAACCTTCTCA  
GGCTTCACCTTCTAAGCCAAAAGCAGGAATGGCTGCTGTTTTCCAAGAAATCAATTCTGGGAAGCCCGTGACT  
TTAGGTCTGAAGAAAGTCACAGATGACATGAGAACCAAGAACCGTGACAGATAGAGTTGGCATTGTGGGTTCT  
AGTGAGAAACGTGGTCTACAGCCTCTCCTTCATTTTCCAAAACAGGACCTCCAAAGTTAGAACTTCAAATGG  
GTCGAAAGTGGGTTGTTGAGAACCAAATTGGAAGAAAAAACTTGGTGATTGATGATTGTGATGCTAAACAAT  
CGGTGTATATCCTTGGATGCAAAGATTGAGTTTTGCAGATTCAAGGGAAGGTCAACAACATAACAGTTGACAA  
ATGTACAAAATTGGGAGTTGTATTGAGGATGTTGTGGCTGCATTGAGATTGTAAATTCCAATGGGGTTGAA  
GTACAATGTCAGGGTTCTGCTCCAACCTATTCTGTGGACAACACTGGAGGCTGTCTACTATATTTAAACAAAGA  
TTCTTTGGGGACATCCATTACAACCTGCCAAGTCAAGTGAGATCAATGTCTTGGTTCCTGATGCANGA

>trans\_c\_445 D55647|Cucurbita pepo mRNA for catalase (cat3), complete cds

ACACTACTTCCATTTTCTTCCCCATTGTAACCTCTTTTTTCTCTTTTCTTCTTTTCTTCTCCACAGCCATGGATCC  
TTACAAGTACCGCCCATCAAGTGCGTACAACACCCCATCTGCACCACAACTCCGGCGCACCGATATGGAAC  
AACACCGCCGTAATGTCCGTCGGAGAACGCGGCCCAATCCTGTTAGAAGATTACCAACTCATCGAGAAAATCG  
CCACCTTACCCGCGAAAGAATCCCCGAACGAGTAGTCCACGCTCGTGGTGCCAGCGCCAATGGTTTCTTCGA  
AGTAACCCACGACATCTCCGACTTAACCTGCGCCGACTTCTCCGTGCCCCAGGCGTCCAAACCCCGTCATCG  
TCCGTTTCTCCACCGTCATCCACGAACGTGGCAGCCCCGAAACCCTCCGTGACCCCGTGGATTGCGCGTCAAA  
TTCTACACGCGTGAAGGCAACTTCGATTTAGTCGGCAACAACCTCCCGGTCTTCTTCGTTCTGATGCCATGCA  
ATTCCCTGAAGTAATCCGTGCCTTTAAACCCAACCCGAAATCCACATCCAAGAACCATGGAGATTCCTGGATT  
TCTGCTCTTACCATCCCGAAAGCCTTCTGTCTTTTGCTTGGTTTTACGGTGGCACCAGCATTCGAATCAATTACC  
GTCACATGGAAGGGTTGCGCGTACAAGCATATTCCTAATCAACAAATCCGGTAAAGCCCGTCTCGTGAAATT  
CCACTGGAACCAACTTGCAGGGTAAAGAGCATGTTGGAAGAGGAGGCGGTTAGAATTGGTGGGACGAATC  
ACAGTCACGCCACACAGGATTTGTACGAGTCGATTGCGGCAGGGAATTTTCCGGAGTGGAAGCTTTACATACA  
GACTATTGATTATGAGGATCAGAATAATTATGATTTTGAGCCGTTGGATACGACGATACAATGGCCGGAGGAT  
GTGATTCCGTTACAGCCGGTGGGGAGATTGGTGTGAGCGGACCGCGTGATAATTTCTTTCGCGAGAATGAG



ATGTTGGCTTTCTCCATGTCGTTGGTGCCGGGGATACATTATTCGGATGATAAGATGTTGCAAGCAAGGAGCT  
TTGCGTATGCGGATACACAGAGGCATAGACTTGGTCCTAACTATCTTCAGTTGCCTGTTAATGCTCCTAAGTGT  
CCTCACCATAATAATCATCATGAGGGGTTTATGAACTTTATGCATAGAGATGAGGAGGTGAATTACTTTCTTC  
GAGATATGATCCTTGTCGTATGCTGAGAAGTTCCCGATGCCGCCAATGTGCTCAGCGGAGGGGAGAGGGA  
ACACACAGCCTTAGGGAGAATCATAACTTCAAGCAAGCTGGAGATAGATACCGATCATGGGCACCAGACAGA  
CAAGAACGATTCTGAGGCGGTTTGTGGAAGCGTTATATTCAAAAATGTGACACACATCCTG

>trans\_c\_446 AF412074|Arabidopsis thaliana AT5g08330/F8L15\_60 mRNA, complete cds

ACAAGAATCAGTCCTCTTCCAATGGAGCCCTCGCTGTAAAAAGCCTCCTTCTAAGGATCGTCATAGTAAGGTT  
GATGGTCGTGGCCGTCGTATCCGTATGCCCATCATCTGCGCTGCTCGTGTCTTCCAGCTGACTCGTGAAGTTGG  
TCATAAGTCCGACGGTCAAACCATCGAGTGGCTTCTTCGTCAAGCCGAGCCTTCTATTATTGCTGCTACTGGTA  
CTGGTACTACTCCTGCTAATTTCTCCTCTGTTTCTTTCCGTTAGAGGAAATGGCGGCGGCTCTGCTTCTCTCT  
CTTCCCCTTCTTCCACTACTTCTACTCTTCCCTCTCACGTCCTCAAGCTCTTCCGGTCCCACGCCGTTTATTCTT  
GGCAAGCGTGTTAGGTCCGACGATGATGCTAAAGACGATGGGTAGGAGTGGGTCAAGCGTTGGGTCCAT  
AGTGGGTCCGACCGGGCCAGGTGGGTATTGGGCGATTCCGGCTAGACCCGATTATGGGCAGGTTTGGAGTTT  
TGCTGCCGCGGCTCCGTCGGAGATGGTGGTTCAACAGGGGGGGATTCTCAACAAGCGTCGTTGTTTGCTCA  
ACAGCAGCAGCCGATTAGAGAGGCGTCCGCGGCCAGAGTGGGGAATTACCTTCTGGTCATCTGAATTTACT  
GGCGTCTTTGTCCGGTGGAGGTGGTTCTGGACGGCGGGAAGATGACCCTCGCTAATTGTTGAAATGGGTGG  
GGATATTCTTGTTCTTCTTCATCGTATTTTGTACAAATTATCTGTGTGTCAATTGCTTTCTTGTTGTCAGCTAAGA  
AAAAAAGGGTTAATTCTAGTGGAATGTAGGATTCTAGGGTTTCAGTTTGCTTGGAAATCAGAATTCGTAGAT  
CGAATTTCAATTTTCCATGGATGAGTTCGTTTCAAGATTAGAATTTAGGGTTTGAAATTGCTAGAAACAAAAATT  
AGGGTTTTATTTTTCTTCTCCATCTTATGAGAGTGAGAAGAAGATTCAAGATTCATCGCTGCTGCAAATTGAC  
GATTGATGAACTCGAACAGGGGAAGCAGATTTGTTGAACATTGAATCGGAGCTTCAGTTTTTGGCCGTAATCG  
GCTTACTTATTGCAGTGACGACGAAACCATTGAAGACCATTCTGAAGCTTCTTCTCAATGGTCACTACCCCTC  
GAATTTGAAAAGATGAAGCTCCAATCTCTCACTCTGTAAGACCTCTGTTTTTCTTCTAAAGAATTCCATTTGTA  
TTCTTAGAATTTGTTGGCTTGACAATAATGGGTGTTTTTATTATTTTCATTATTATTATTTTCTTGTTCTTGTTT  
ATGTCAGTGAGTGTGTTCTGGGATTTCTCTGATGTGAATAAAAATCCATTTGGTTTTTCTACCATTTTTGNCA  
GTAAACAACATTTTACATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_447 AY326306|Cucurbita maxima gibberellic acid insensitive phloem (GAIP) mRNA,  
complete cds

TAACTCGTCCTGTCGTCCTCGTCGATTGCGAGGAGAACGGAATTCAACTGGTTCATGCGTTGATGGCTTGCGC  
CGAAGCCGTACAGCAGAACAATCTGAATATAGCGGAGGCTCTGGTGAAGAGAATCGGTTACTTGGCGGTTTC  
TCAAGCAGGAGCGATGAGGAAGGTCGCCACGTTCTTCGCTGAAGCGTTGGCACGCCGAATCTACAGGCTCTG  
CCCTGAGAATCCCCTTGATCATTAGTGTCCGATAGGCTTCAGATGCATTTCTACGAGAGTTGTCCCTATCTGA  
AATTCGCGCATTTACCGCTAATCAAGCGATTCTCGAAGCCTTCGAGGGGAAGAAACGTGTTACGTAATCGA  
TTTCTCCATGAACCGAGGGATGCAATGGCCAGCTCTGATTCAAGCCCTAGCTCTACGGCCGAACGGTCTCCA  
GCCTTTCGCCTCACCGGAATTGGTCTCCGGCGCCGGATAACTCAGATTACCTCCAAGAAGTAGGCTGGAAAC  
TGGCTGAATTAGCCGAAGCTATCCATGTGGACTTCGAGTACAGAGGATTTGTGGCGAATAGTTTAGCAGATCT  
AGATGCGTCGATGCTGGAGCTCCGACCGAGCGAGGTTGAATCGGTGGTAGTGAAGTCAAGTATTCGAGTTACA  
TAAGCTCCTGGCTCGGCCTGGCGCCCTGAAAAGGTTCTGTGCGGTGGTGAAGCAGATGAAGCCGAGATCAT  
GACGGTGGTGGAGCAAGAAGCGAATCACAACGGTCCGGTTTTCTGGACCGGTTCACTGAGTCACTCCATTA  
CTACTCAACGCTTTTTGACTCGTTGGGAGACTCCCCAACCAACCAGGACAAAATCATGTCCGAAATGTACCTCG  
GAAAGCAAATTTGCAACGTCGTGGCTTGTGAAGGTGCCGACCGTGTGAACGCCAGACCTTAACCCAGTGGC

AAACTCGGTTATCCTCCGCAGGGTTCGAACCCATCCATCTCGGCTCAAACGCATTCAAACAAGCTAGCATGCTC  
CTCGCCCTATTTCGGCAGTGGAGAAGGCTACCGTGTGGAAGAGAACAACGGATCACTAATGCTAGGATGGCAC  
ACTCGCCCCCTCATAGCCACCTCCGCTCGGAACTCGGCAACAACCTCGGTGGTCGCTCACTGAGTCAAAACAC  
CACCCAGGACGATCCGGGTCAACTCAGTGAAGTGAAGTCAAGTCAAAATCCCTCATTTTTACCTCACCCGAA  
TGAAACAGTGAATGGCAATAACAAAGGAGAAACCTTATCTCACTGTCTGTACCTTGACAAGGGTGACCCACC  
ACTAGCAAATGTGCCTTTCACCTCACCTTTCCTTTGCCTGTCACTTTTTTTTTTTTTCTTCTTTTTTTGGT  
GGATATCCCAGGGCTCTTTTGTAATTTTCAATGGTAAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_448 AY220481|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 induced kinase 1 (ACIK1) mRNA, complete cds

AAATTAATAATAGTAGTAGTAGTAATAACGATAGTGTGTAGATTATAGAGAAGAAAGAAAAAAGAAAGAAA  
GAGAGAAGGAATGGCGGTGAAGAAAATGAAGTGGAGATCCATATCCTCCAGCTGCTGCGAGGTGGAGTCCC  
AGTCGTCGGAGGTGATGAAAGTAGTGGCCGCCAATGATAAGCCTAGTTCCTTCCAGAGGATTTCCAAAATCG  
ATTTCACTAACCTAACTCAACCATCTCCGAGGATCTTCAATCTCTTGGCGGATCTGACATCCAGTCTTCA  
CCCTCGCCGAGTTGAAGCTCATCTCTCAGGCCTTCTCTTCTCAAACCTTCTTGGAGAGGGTGGCTTCGGCCCC  
GTCTACAAAGGCTTCTCGATGACAATCTCAGGCCTGGCTTGCTCCCTCAGCCCGTCGCCATTAACTCCTCGA  
TTTGATGGAACCCAAGGCCACAGGGAGTGGCTGACGGAGGTCATTTTCTAGGGCAACATAAGCACGCCCA  
TCTTGTCAAGCTAATTGGATATTGCTGCGAAGACGAACATAGGATGCTTGTGTATGAGTATATGCCAGAGGA  
AGCTTGAGAAATCAACTTTTCAAAAAATATTCAATCCCATTTGCCGTGGTCCACGAGAATGAAGATCGCTCTTG  
GAGCTGCAAAGGGTCTCGCCTTCTACACGAAGCAGATAAACCAGTCATTTACCGAGATTTCAAAGCCTCCAA  
CGTACTGCTTGATTCTGATCAGCTGCGAAGCTGTCTGATTTTGGTCTGGCCAAAGACGGTCCAGAAGGAGAC  
AACACTCACGTCTCCACCCGAGTAATGGGTACACATGGATATGCGACGCCGGAGTATATAATGACTGGGCATC  
TGACGGCGATGAGTGTGTATAGCTTTGGAGTAGTGCTTTTGGAGCTGCTGACAGGACGGAGGTGGTGG  
AGAAGAGTAGCCGTAAGAGACAACAGAATTTGGCCGAATGGGCGAGGCCGATGCTGAATGATCCAGGAAG  
CTAAGCCGTATAATAGACCCAGACTTGAAGGCCAATACTCCGAAATGGGAGCTCAGAAAGCAGCCTCGTTG  
GCTTACCAATGCTTAAGCCACCGCCCAAAGCAGAGGCCACCATGAGCGCCGTCTGCAAGGTATTAGAGCCAC  
TCAAGGATTTTCGATGATATTTCTTCAGGCACCTTCGTTTACACGGTTATGGATCAGCCAAATTCAATTCAAGCCT  
GAACCTAAGGTGCAGGGGCTGGTTAAATGAAATCATAAACCCCAACTGTAGATATACAATTACAGAGGATT  
TGGTGCGTTTTTTGGTTCTTGGTCAAAGGGGATCGTAATTATAAATTAATTGCGATGCCATGAAGGAGGATCA  
GTTGCTTCATTTCTCCTCAACACACGGATCTATTGCATTAATTAATTTTAGTGGTGTGTTGCCAAAAAAA

>trans\_c\_449 AF098458|Hevea brasiliensis latex-abundant protein (LAR) mRNA, complete cds

AAAGTCAAGAAAAAAGGAGATCGAATTTTTTTTATCTGATCCGATCTTCAAAGAAAAGTCTCTGATCGAATTGT  
AAGAAAATGGGGAAGAAGGCGATTTTAATCGGATGCAATTACCCGGGAATAAGGCAGAACTAAGAGGATG  
TATCAACGACGTTAAACGGATGCATCAATGTCTGATCGAGCGTTATGGTTTCTCGGAGGATGATATCGAAATC  
CTGATTGATACCGATGAATCCTATACCCAACCCACGGGCAAGAATATCCGCTCCGCCCTTGCTCGTCTAGTCAA  
ATCCGCCGATCCAGGTGACTTTCTTTGTTCACTACAGTGGTCACGGCACCCGTCTCCCTGCCGAGACCGGCG  
AGGATGACGACACCGGCTACGACGAATGTATTGTTCCACCGATATGAACCTCATCACTGATGATGATTTAG  
GGAGTTGGTGGATCAGGTTCCGGAAGGATGCCGATTAACAATTGTATCGGATTTCGTGTATAGCGGTGGTCT  
TATTGACGATGCGGAGGAGCAAATAGGAGAGAGCACCAACACCAAGCAAAAAGAAGAAGGAGGCAGCTCTC  
ACTTCGGTTTTAGGAACCTTTCTTCATCAAACCGTTGAAGTGCTTTAGAATCACGTGGGATTACGTTCCCTCA  
GCATTTCAACACCATCGCCATGGTCTTCCCACTACCGAGGACGAATCCCAAGAGAGGGAGCTGGAGCTTTTAT  
ATGGAGAGCGAGTCAATGTGAAAAGCAGATCTTTACCTCTATCCACTCTTATAGACATTCTGAAGCAGAAAAC  
AGGGAAAGATGACATTGATGTGGGGAAATTGAGGCCAACCTTTTTGATATTTTGGAGAAGATTCAAGCCCC

AAAGTGAAGAAGTTTATGAAGGTGATCATGGACAAACTCCAGGGTGGCGAAAATGGACAATCTGGAGGAGG  
ATTCTTGGGAATGGTTGGGAGTTTGGCACAAGAATTTCTCAAACAAAAGCTGGATGAGAAGGATGAAGACTA  
TGTGAAACCTGCTTTGAATACTGAAGTGGGGAGTAAAACAGAAGCATATGCTGGATCATCCAAGCGAGAACT  
TCCAGATGGTGAATCCTCATCAGTGGGTGCCAGACAGACCAAACATCTGCTGATGCTACGCCTTCAGGAAAT  
GCTAGTGCTGCATATGGGGCTCTCAGCAATGCAATTCAGACCATACTCAGTGAATGTGATGGACAAATTACCA  
ACCAGGAGCTTGTAAATGACGGCTCGGAAAAAGCTGAAAAGCCAAGGTTTCACTCAGAGACCTGGACTCTATT  
GCAGTGATCATCATGCGAATGCTCCCTCGTTTGCTGATTTTTTTCTGTTGAACTACTTCTTCTGTTCTGTTGTGTG  
TGTGCTTGGCTTTTCAAATGATTTTGGGTGCGCTCTACATTGTGTAATAAAAGCTTGAACCTTACATTATC

>trans\_c\_450 NM\_001054646|Oryza sativa Japonica Group Os02g0745600 (Os02g0745600)  
mRNA, complete cds

AAGTAAGAGCATAAAGAATCAGAAAAAGAAAGAAAAGGTTAGAGAGCAAAGGATTCAAAGAGAAGATAATA  
GTAAAGAAAATCTTGGTGGACTGATTTTCATGTGCAGCGCAAAAACGAAGCCAGATTGTTTTCACTACAACGT  
AATGGGTGTTTCTGCTGGAAAAAGGATGTTGTCTTGGCAATTAAGCCTGGGTGAAGCTCTTCTCTACGATT  
TTGATCTCAGGCTTCTGTATGGGATTATAAAGCATCCTCTACCGGTGGCATGAACTTGAGCCAAAGGCTTTT  
AATGGGGCTTTCCCTGCTCAGGTGCGGTTCAATATTTACAAGGATTGTTTTCCACTACCCGAGAATGTTTTCAA  
GAAGGCTATCCAAGAGAACTATTATGAGAAGCACAAGTTCAAAGCCGAGCTCACTGTAAACAGGTTAGGAA  
GCTCTCAGATCTTTCCGACCAGTTGCACTCCATTTCGAGTGCTGCTCCTGTCTTGTCCCATGTGGAGGTACCAAT  
TAGGGATAGAAATATTCATGGGAAAGCTAAAGACATTCGGGTTAGGAACTCCAAGTCCAAGGATGATGCCAG  
GAAATACCATTTGTCATCTCATGGAAGGGATCGACAGAGAGAAGAGGCACCTAGACGTAGAGAGGAGGTTT  
CTCGTGATTTATACCTAAGCGAAAGGGACTATCGAACATATGGGCTCCGGGCAGAGAGAAGAAATTTAGACC  
CTGTATCTCGATCTTCTTTAGAAACATACCGCGGGGATCAGGATAGGGACTATCAACTGAAACATCTAGAGCC  
TAGATACAGGGATGATGTCTCGACACACGCACAGAGAGAAATAGTCCGTGCGGATCAAGTATACTTTAACGG  
GAAAGATTATCCAGTTTACAGCATTGATTCTAGACAGCAAATATCACCTCTAAGACCAATATCTGCTAGTGGTA  
CAGAACACAATGCTTATGATTGATTACAGTCGTCAATATGGCCTTTCCTCGATTGATCCATATCTGCTTTCAT  
CAAGGAGGGAGGAAGCAGCCCCTCCAATTATTCAAGAAGTTATGTAGCTGATGCTGAACCCATGAGACATG  
CTGCTGGTGCTCTATCGCATTACAATCAAGTGCACTATAAAGATGTGGAAAAAGATACAATGCCGGTTTCATC  
GCGATACTCATTGCGCGTCTTCTATTCTTATCGCTAATTTAATTTCCATTTTTCTGCTGGAATTCCATATAGC  
ACAAGAACTTTGATTGAGTATGAAATTTTGAGTCTCAGACCCTCTTGTGCAGTTGGAATTCCATCTTACCCTTT  
TAGTAGTGATAATGTGATGATGGGGGAAATAGGGTTTCGGCCGTTGATTGGATTATGTTGGCGAGTGCCTA  
ATTACTTGCAAGATTGCTCTATCAAACCTGGGGTTCTTAATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_451 AF264146|Gossypium hirsutum bifunctional lysine-ketoglutarate  
reductase/saccharopine dehydrogenase mRNA, complete cds

TCATTGGCATATAAATTCAGTTGGAATCCTGCTGGGGCTATTGAGCTGGAAGCAATCCAGCTACATACAAAT  
ACGAATGAAAAATAGTAAAAGTTGAAGGAAAGGATCTTTATGACTCTGCTGTGAGACTACGCTTACCTGACCT  
TCCAGCTTTTGCTTTGGAGTGCATTCCAATCGAAATTCCTTAATTTATGGGGATGTATATGGCATTGGGCATG  
AGGCATCAACCATATTTTCGAGGAACCCTACGCTATGAAGGTTTTAGCGAAGTGATGGGAACCCTGGCAAGAA  
TTGGATTTCTAGACGCAGAAGTTCATTCTTTCTTAGGAACGGGAGACCACTGTTTCGAGATTTCTTGCTTGAG  
CTTCTCAAAATTAAGGGAGTCTCGAGTGGCTCCACCATTGGAGAGAAGGCCATCAGTGAGAGCCTTATTTCAA  
GTGGACTATGTAAGGTGCAAGAACTGCTGTAAAAGTAGCCAAAACAATCGTATTCTTAGGACTTCATGAGCC  
AACAGAGATTCTTCATCTTGCCAAAGTGCAATTTGATGTTACCTGTTACAGAATGGAAGAAAGGTTAACCTACT  
CGAAAAATGAGCAGGATATGGTACTTCTACATCATGAAATACAAGTAGCAACACCAGATGATCAACAACTGA  
ATGTCGCAAGGCCACGTTACTAGAATTCGGGACGACGATGAATGGAAAGAGCACCAGTGCAATGGCTCTTAC

TGTTGGTATTCCAGCTGCTATTGGGGCTTTGCTTTTACTGACAAACAAAATCAAGACTCGTGGAGTTTTAAGGC  
CCATTGAATCTGAAGTTTATATTCCAGCCTTGGATCTTTTACAAGCATATGGTTTCAAACCTAACAGAGAAGGTT  
GAATCCTAGCTTTGGTTCTTTCTCACAATAATAAAGGGTACAATCACCTAGCAAAGTAATATAGTAATAAATAA  
CTAAATCCTACTATAGTAACATGGAAACCAATTATCATCTTGATCTAATACTCAAAAACAACCCTCAAAAATTA  
TTTATATGTGGCCGTTACACTAGAATCTCATCAGAAAATTTTGATCTCTAGCAATTGTAACGCTAAAATCTATCA  
ATAGAGTTTCTATCGATACTAGTCCTCTAGCATTGAAACTCATTTTCATGTAATCTCTTCAAACCTAAAGCTTTCAA  
AGTCGTAGGATCTTTTTCTCTGTTAGAGAATTTCTCTAACCTCTCTTTTTCTGTTCCATCTCAAAGAGAAATTA  
CAATTCTTTAGAGGAATTTTATGATGGGGTTGGAGNTTGGGGGTTTTCATGACGAGAGGTAGAATTTTACAT  
TCTATATAAATTTAGTATAAAAAGAACAATTTATGGCAAGTAATGCTCTCCTTTTTCACTTTGCTTATAAATCAA  
ATTGATCGACTCCTTTTATTACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_452 NM\_001057872 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0758900 (Os03g0758900)  
mRNA, complete cds

TTCTGCTTCAGCTTTAATGGCGTCCATTTGCCATTCAATTTGCTTCCTTCTACAATCACTACGCTCCGACCTATC  
CACCCCTTTCTTCCCCATTCAACTTCTACCCCTTCACTTCGGAGCTGCAAAATTCAAGCCACCACCTCAAAGTCAT  
CGACCGCCGTTGGAGATGCTCGGGAACCTAACGACGACTCAATGAGCATCGATAATCTTCATCGCTTCTTCGA  
GCTCAACTCCGGAAAGTGGAACGGTTCTTTCTTTCAATTTGACGTTTGAAGGAATTTGCTGCATGAAATAAGTA  
CGAAGCTAGCTGCGAGCTCTTATGGAGAAGACGAACTTATCAGTCTCATTCAAACACTATATATAAAACAGAA  
ATCAAGTGTTTCGCTTCCTTGTAACGACGACGAGCCGGAGTGGGCAGAGTATAAAATTAAGAAACCAACAT  
GTTCACTGTGGACAAATATCAGCAGATTGGCTTTTTCCCAACGAGAAAGCATTCTCTAAGGTACCAGACTG  
CTGGAATGTTGGATACTGTGCTGAGGGAAGGGGTGCTGGGTGAGGATGATACTGGTGAAGAATTTCCCAA  
AACCTCAAGCTTCCTTCTCGCCGACCTTCAATTGTATGCGAGAATTGCCTATATATTCCAGACAGAGATCTGAG  
GGCAAGAGCTTTTCATATAATGGACCCACAAGGAATTATAGAAATGCTGCTTATTTTTCTCGAGGAAAGGGCT  
GATGGGAAACTTTTTCTGTCGCTCTCAATTCAAATTGCGTGTCTGATGAGGAAAACCGGCTTCTCCCTTTTCTT  
GGTGACTGGAAAGGTCATTCTAGAACAAAAAGAAGTGGTGTTTATGGGGCTACGATTGCTGAGGCTGATTCT  
TTTTCATCCCTTCAAATGGACGACAATGGTCAGATTATCCAGGATATCACAACAACATCAATGAATGGAGATGT  
CACCACAAACGTGCATTGGACTGGTACTAAATTGGACAACCTTGGTAACGCTTGACGGCGGGTATCAGATTACA  
TTGTTGCTGGTGGAAATGTATATGGGATGTCCGTGTGATGTAGCCAAAAGTGTAGCAGATAGTAAGTCATTCC  
ACCTCGAGTTCTGCTGGCTTGAAGCCCCAGGCAAAAGACAGAGGCTGGTCCGAACTTACGACATGGAAGGTT  
TGGCTGTCTCATCAACCTATTTTTCTGAAATCAAACCTGTGAGTGATCCTTCCATCTATCTATTGCACCTCCATTA  
GAAAGAAGCAATCCTAAAATTATCCAGATGTATAGCAGTTCATGTTTGCTTATATATAAACTTAGATTATATG  
AGGTAGAAGCCAGATTTTTGTTATCAAATTGTGATGCATGAACAATTTGTTATGTATTGAAGAATACCCATAG  
AAAGATTAATAATACCATCATCTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_453 AB326233 | *Daucus carota* FEN1 mRNA for nucleoporin 98, complete cds

CATCAACAACCTCTCAGTTTGGCAGCTCATCTTTATTAGTTTCATCTAACACTCAACCCCTTGCTTCACAATCTGC  
TTTTAGTTCAACTACATCTCCAGGAACAAATCTTACATTTCTTCCAGCTTAAATTTTGGTAACACTCAATCATCT  
TCGCTCTTCCAATCCACAACACCTGCAATTGGGCAGACAGGTTCAGCCTTTGGCGCTCCCTTTTACAATCCAG  
CTTGTTTAGTCAACCTTCTGCTGGGGTGGTGGGAATCTTTCTCTAGCTCGCCATCACTCTTAACTTCAAGCAA  
TCCAATGGGTTTTGGTCAAACATCTGCCCTTTCTCCATGCCTTTTCAACCAGCACAACAACAGGCACCCACTTC  
CTTCTTTAGCAACTTGGGTGAGGCTCAACCAATTGGTTCAAGTGGTTTTGCAGGAACTTCAAGCATTTTTGGCC  
AGAGTAATTTTGGACAATCGCCCATCACCAGACCCCTGCAGTACAACCAGCACCTGCTACCAATCCATTTGGG  
AACTCCCTGCAATGCCACAGATGTCAATTAGTAGACCAGGAGCAGCACCTTCTATTCAATATGGAATTTCCAG  
CATGCCGTTGTTGATAAAGCGGCTCCAGTCAGAATATCATCTTTCTTGACGCCTCGCCACCTATCTCACAGAC

>trans\_c\_454 FJ026007|Prunus salicina ethylene responsive transcription factor 2a (ERF2a) mRNA,  
complete cds

>trans\_c\_455 U43683| Glycine max S-adenosyl-L-methionine:delta24-sterol-C-methyltransferase mRNA, complete cds

TTCTTGTTTGTTAGTTCGTCCGGCTTCACCTTTTGATTGTTCTATAAAAGACTCCTCTTCGAATTTTCATCATTTTT  
TCCATTTGGGTTTCTTCTCTCTCAGATCTTCGACGTAATGTTCAACTCAAATCACACCCACATACTCATTCTTCT  
TTCTCTTTTCCCATTTTCATTTTTCGTACTAAAATCCTCAAACAAATCCTTCGATTCTCATTCTCATTCTGATTCTTTC  
TTTTGCTTCAATTCTACTTTTAGATCTCCAGACACCGTTTTTTTACGTACCCATGTCGAAAACCTGGAGCGTTAG  
ATCTTGCATCGGGCCTTGTTGGCAAGTTGGAAAAGAACGACGTCCTTCCGCCGTTGAAAAGTATGAGAAATA  
CCATGTCTGTTATGGAGGTGAAGAGGAGGAGAGAAAAGCTAACTACACTGACATGGTTAATAAATACTATGA  
TCTTGTCACAAGCTTTTACGAGTTCGGTTGGGGCGAGTCGTTCCATTTTGCACCTAGATGGAAAGGCCGAATCT

CTGCGGGAGAGCATTAAAGAGGCACGAACACTTTCTTGCTTTGCAATTAGATTTGAAACCTGGATATAAGGTGT  
TGGATGTTGGATGTGGAATTGGTGGACCGCTTAGAGAAATTGCGAGATTTAGTTATACTTCTGTTACTGGATT  
GAACAACAATGAGTACCAGATTTCAAGAGGAAAGGAGTCGAATCGCGTTGCAAAAGTGGACAAGACTTGTGA  
CTTTGTCAAGGCCGACTTCATGAAAATCGCCATTTCCCGACAATTCATTTGATGCAGTATATGCAATTCGAAG  
CTACTTCGTCATCGCACCAGACGCATATGGGTGCTACAAGGAAATTTATAGAGTACTAAAGCCTGGCCAACAT  
TTTGCTGCTTATGAATGGTGTATGACAGATGCTTTTGATCCAAATAATCAAGAACATCAAAAGATAAAGGCAG  
AAATTGAGATTGGTGTATGGTCTTCCAGATATCAGGTTGACAGGAAAATGTCTTGAAGCTTTAAAGCAAGCAG  
GCTTTGAGGTTGTTTGGGAGAAAGATCTTGCTGTAAATTCGCTCTTCCGTGGTACTTGCCTTTAGACAAAAGC  
CATTTCTCATTGAGTAGCTTCCGTCTAACAGCCCTTGGTCGTTTCATTACTAAAAATATGGTCAAAGTATTGGA  
GTTTCATTGACTTGCCCCAAGGGTAGCCAAAGAGTTCAAGACTTTCTAGAGAAAGCTGCTGAAGGGCTTGTT  
GAGGGTGGAAAGAAGGAGATATTTACGCCAATGTATTTCTTCTTAGCCCGGAAGCCACTTTCAGCCACTGAGT  
AGTTTGACAATGCATATTAACCTATTTGCTGCTGCTACTCAGTTATGGAGTTTTTGCAGTCACCCTGAAGAATAT  
GTTTTTGGCTTAATTTAACCATTTTAGAGCTTTTTTTTTCTTTTTCTT

>trans\_c\_456 XM\_002864431|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ndr family protein, mRNA

AGTAGCGAAGAAGGGGAGGAGGATTTAGGGGAAGAGAGAGAGGTGAGAAAATTAGGAAAGAAGGGAAAT  
GGGGGATTCAAGCGACTCGGTTTCGGTGGATATGGAGTCGATCTTGTGGAGGAAAGGAGTATCTTGTGAA  
AACCTGTTATGGTGTGTTTCTGTACCGTGGTTGGAGACCTGGACAAGCCAGCTCTAATCACTTATCCTGATT  
TAGCTCTAAATCATATGTTCTGCTTCCAAGGATTAATGTTTTGTCCAGAAGCTTGTTGCTTATTGCTTCACAACT  
TTTGCATATATCATATCAGCCCTCCTGGACATGAGTTAGGAGCTGCTGCAATTTGCCCTGATGATCCTGTACTTT  
CTGCAGATGACTTAGCAGATCAAATTGCTGAAGTTCTTAACTATTTTGGACTTAGTGCTGTATGTATGGGT  
GTTACTGCTGGGGCATACTCCTCACTCTCTTTGCAATGAAGCACAGACATCGTGTTTATGTTTATGATTGAT  
TTCTCCTATATGCACAGCGCCCTGTTGGACAGAATGGTTGTATAATAAGGTGATGTCAAATTTGCTTTATTTCT  
ATGGCATGTGTGGTGTAGTGAAGGAGTTGTTGCTAAAGCGGTATTTAGTAAGGAAGTTCGTGGTTGTTCTCA  
AGTACCAGAGTCCGATTTAGTTCAAGCATGCAGAAGATCACTTGACGAGAGGCAAAGTTCAAACGTCTGGAG  
GTTTCTTGAAGCAATGAATGGGAGACCCGACATTTCAGAAGGGTTACGGAAACTAAAGTGCCGTTTCGTTGATA  
TTTGTTGGGGACAGGTCCCCGTTCCATTGAGAGGCTCACCACATGACTATCAAACCTAGACAGAAGATACAGTG  
CCCTAGTGGAAGTTCAGTCATGTGGGTCAATGGTGACGGAGGAGCAGCCTGATGCAATGTTGATACCTATGG  
AGTATTTTCTCATGGGATATGGCATGTATAGGCCATCTCATTTTAGCGTCAGCCCGAGAAGCCCCCTTGAGCCCT  
TCTTGATCTCCCGAGCTTCTGTACACCAGAAAGTATGGGATTGAAGTTGAAACCAATTTAAACAGGAATCTCCT  
TGCAAGTCTAGAATGACAAGACGATTGAAGGAGGCACAGCATAAAATAAAGATCACTTTTTGTATTTATATGT  
ACTGCGAGGAGTTGGGACAGTTTTTTTTGTTTTTCTTTGGCAATCCATCAGTTCGTGAATGAGAGGTGTGGGT  
GTGAGGTGTAGATAAAGAAGGAAACAGGATATTTCATAGCGAANACTTCTAGGCAGAAATCAGAAATTGTCA  
TTCTTTCATTTGTAATCAAAAGAATTAGTTGATGAGGAGGGCGCCATTCTGTAAATCTCAGAATTATTTATTT  
TCAATAAATAAATAATGTTTTTAGATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_457 NM\_128855|Arabidopsis thaliana COP1 (CONSTITUTIVE PHOTOMORPHOGENIC 1);  
protein binding / ubiquitin-protein ligase (COP1) mRNA, complete cds

AGATGATGAGTTATTTGCTACAGCTGGTGTCTCGATGCATAAAAGTCTTTGACTTCTCTTCGGTTGTTAATCA  
GCCTCCTGATGCCCCACTGTCCTATAGTGAAATGTCAACACGTGCAAAATTAAGTTGCTTGAGTTGGGATAAA  
CAATCAAAAAACATAATAGCTAGCAGCGACTATGAGGGTATAGTAACAGTTTGGGATGTAAATAGAGGGCAG  
AGTGTGATGGAGTATGAAGAGCATGAAAAGCGTGCTTGGAGTGTGATTTTCCCGTACAGAACCGTCAAGG  
CTGGCGTCCGGTAGTGATGATTGCAAGGTCAAAGTTTGGTGCATGAAACAGGAGGCCAGTGTTCTTGATATC  
GACATGAAAGCCAATATATGTTGTGTCAAATTCAATCCTGGATCTGGCAATCTCATAGCTGTTGGTTCAGCAGA

TCACAATATTCATTATTATGATCTAAGAAACATCAGCCATCCACTTCACGTCTTCACCGGTCACAAGAAAGCTG  
TGTCATATGTAAAATTTCTATCGAACAGTGAGCTTGCGTCTGCATCTACTGACAGCACTTTACGATTATGGGAT  
GTAAAGGAAAATCTACCAGTTCGGACCTTTAGAGGCCATACAAATGAGAAAACTTTGTTGGTCTGACCGTGA  
ACAATGAATACATTGCTTGTGGCAGTGAAACAAATGAAGTCTTTGTCTACCACAAGGAAATATCCAGACCACT  
GACGTGGCATAGGTTGCGTTCACCTGATGTAGCTGATGTGGAGGATGATGTGGGATCTTATTTTCATCAGTGCT  
GTTTGTCTGGAAGAGTGACAGTCTACTATCCTCACCCTAACAGTCAGGGAACAATTAAGGTGCTGGTTCTTG  
CGGTTTAATAAGTTTATTTGACCATTTAGGAAGAGATTCTATAGAGATGCGTCTTTAGCTCAATTGTATGTAAT  
GCTCACACAATAGTTTCACATATTAGGGAAATGCAACATAGAAGGGTCTTTTGTAGTTAAGGCTATGTGTACCC  
ATCAAAAACCTGGGTGGGTATTTTAAACCTAGCCTCAAGTCACCATCTATTCTCTCTATCCACACCCTATT  
CTCAATAGTCAATTATGTCCTTGAACCAATCATCGCTTTGGAAGCTAAGCTAAGATTGTGTTCTTTAAATGGTT  
ATGAATACGATGAACTACTAAATAGAATGCCCTCATACTTGTAAACAAGCCTTGAAATAGCATCTTCACTTGTA  
ATGAGTCTTAACATGGAATTGTAAAAATGGGGTAGTTTGGGAGAGCAAGCGTTTGGTGGACTTGACCGTG  
AGACAGTGAGAGAAAGGAATTGACTAATGTATAATTCCAGTGTTTGATTTCATTCTTATTAGACCATGTCTT  
CACTTTAAATGTANGAGTTTGTCTATTCTTTTTCTGCTCCGAATGTTCTTAATAG

>trans\_c\_458 HQ009848|Gunnera manicata TIP41-like protein mRNA, complete cds

AAGAAATAGGAGCAGCCACGACGCCAAGCTCTTGCCTTGTAAATGGAGGTTGAACCAGACGAGAAGGAATT  
GAAAGCCGCCGGAGCTCAGCTCCTGCCTGACGGACGGCGAGGCCTACGAATACATGGTTGGGAGATCGAGA  
CTCACAAGCGTTCAATTCTTACCTCCTCCAATTCGAGCAATGGGAACAGAACTTCAAACGTCTCACTTGCCA  
GAGATGGTGTTCGGTGACAGTTTGTAGCTCTCAAGCATGAACTGGAGTTCAAATTTATTTAATGCCTTTGA  
TGCTCTAACTGGTTGGAAAAAGGAAGCTCTGCCTCCTGTTGAGGTTCTGCAGCTGCGAAATGGAAATTCAGA  
AGCAAACCTTCGCAACAGGTGATATTGGATTATGATTATACATTTACAACACCATACTGTGGAAGTGAAAGAA  
TTGAAGCTGATACAGAGAAGCATGGAAGAGAGCAACATGTGAAGAAAGCAATGGTCTCTGCTGGGAGGAT  
TGCAAGGAGAAAATTGATTTAGTCTCACTCTCACTAAAGGAGCCTATTCTCTTTTATGATGAGGTAATCTTGTA  
TGAGGATGAGCTGGCTGACAATGGCATATCACTTTTAACTGTGAAAGTGAGAGTCATGCCAAGTGGTTGGTTT  
CTTCTTTTACGTTTCTGGCTTAGAGTTGATGGAGTGCTTATGAGATTGAGGGACACTCGTATGCATTGCATATT  
TAGCAACAGAGAAAATCCAATAATTCTTCGAGAAAGTTGCTGGAGAGAGGCTACGTTTCAATCTCTCGCTGAA  
GAAGGATATGCGTCTGATTCTGCGGCCTATAACGATCCGAGCGCCATCTGCGACAGACTCCAGATTATCATGC  
AGAAGACCCAAAAGCTTAGAGTCTCTGGTAAATTATAATCTTGTAATTGATATCACAAAGTGATTAGCATTTC  
ATCGTGTATGTTGGTTGCTGAAGTTTTTCACTTATATATATTTATTTCCAAGGCTTACGTTGGATAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCA  
AAATTTAAGGGAACCCCCACCCAGGGGGGGGCCCCGGGACCCATTCCCCCAAGGGGGGGGGGAATACC  
CCCCCCCCGGGGCCCCGTTTAAACCCGGGGGGGCGGGGAAAAACCGGGGGTTTCCCAATTTAAATCCTTTG  
GGAGAAGTCCCCTTTTCCAAGGGGGGGAAAAAACCAAAAGCCCCCCCCCTTCCCCCTCCAAAATTTGGC  
CCCCCGAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCGGAAGGGGCAATTAAACCCGCGGGGGGGGGGGT

>trans\_c\_459 BT003044|Arabidopsis thaliana At3g17860/MEB5\_8 gene, complete cds

CTCCTTGTGAATTTTCATGGTTTAGAAGAAGGAGATTTTTATTTCTAGAGATTTCAAAATGGAGTGGGATTTT  
TTGGGTTTGAAGTCTGAAAAATGCCGCCATGCCATGCCTATCCCTTTCCTCTGCCTTTCAAAGAAGAATTTCA  
AGATAATTCTAAAAATTCAGCAATGGTGAGTGGTTCTTCAAGTATGCAATGGTCATTCTCAACAAGGTTTCTG  
CTGTTCCACAATTGCTGTCTTTCAAGGCTTCTCAAGATGAGAAGCCAAAGAAAGTTATTGCTGACCCACTTGTC  
TCTTCAGACATTCATAGGCCATATTCTTCTAAGAATGTAGCGTCAGATAAGAAGCCTGTAAACCAAGTATGCAAT  
GGCAGTTTACCCTTTCCAAAACACCGAGGCGCTTTTGTTCCTCGTTCACAAGATGTGAAGATGTTTCAATTC

CAACCAATCACCAGTTCCTATGGCTTTCATGTGCCAGTATTTCAATCCCATTGGTTTCTTCTCCTCAACCTATG  
GTTGGTTCTAATGTTAACTTGCAGCCATTTGGTGGGGTTCCAATTGCAACCTCCCTTCGGTTCCTTTTACCAGC  
TCTGTTGTCGGTACAACCTGAGTTAAGGAATGTTTCAAACCTCCCGGTTTCGATGTCGCAGCTTACAATCTTCTA  
TGCCGGATCCGTGTGTGTTTATAATGATATATCTCTGAGAAGGCTCAAGCTGTTATGCTTTTAGCTGGCAGTG  
GTGGGCTGCCTCAAACACAAAACAACATACTTTCCACAGGTCAAATGAAGGCATCATTTGCCGGTGAAAGTTT  
CCAAGGAATGCCACACCTTGAACCTACTGCTACTAAACCTATAAAACCCTCAGCTTCTCATCCCAAGCATTTC  
TGAACCTCCCATCGATGCCGGTCTGTTGCATCAGTTTCCCCGATTCCCCAACATTTCATACCTGCAGCTGTACC  
TCAGGCTCGAAAGGCATCCTTGGCTCGGTTTTTAGAGAAGCGCAAAGAACGGATAAACACTTGTCCCTACAGT  
GTTGCAAAGAAAACATCAGACTGCTCATCCTCAACCTGGATCTGATGGCCTGATATTTGCACAATGGCCACC  
GCCAAGACTTTGGACTCATCACAATTTGGTGTGTCTCCAATATTAGAGAAGTTTAGATATAATCATCTAAAGC  
AAATTTTGTCAATCTGTTAGCTTAGATTGATTCTTGGTTTTAGTTTTCTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTAAATATA  
TTTTCTTTTGTCAATTCAAAGCTAAGAACAATATGTATCTTAGCTGCTCCATTTATGTAAAATATTGCCTT  
TTATTTATACCCAGAGAAACGATGGGACAATATTTTGTATTGTATCAAGATACTCAAGAGATCATTTTTTCCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_460 XM\_002307655|Populus trichocarpa mtn21-like protein (N21L12), mRNA

ACACAAAACAAAACAAAACAAAACCCATCTTCTCTTCCTTCTTATTCTTTTTCTTTATCAAATTCATATCTAATT  
AATAATGGCTGATCATGGAGGAGGCTCAGTTTCTGGGTCGTCAAGATTTTGGTGTTCAATTCCTGAGAACTT  
CAACTCCATGGCGCCATGTTGGCCTTGCAATTCGGCTATGCTGGATTTACGTTGTCTCAAGAGCTGCCCTTAA  
TATGGGCATTAGTAACTTGTGTTCTTGTATAGGAACATCATTGCCTTTTTCTTCTCCTTCCCTTTGCCTAT  
TTCCTCGAAAAGAAGGAACGTCTCCATTTCTTCAATTTCTTCTTCAGTTCTTCTTCTTGCCTTGTTGGAA  
TCACGGCAAACCAAGGATTCTACTTGCTAGGTTTGGAGAACACATCACCGACGTTTGCTTCAGCAATACAAAA  
CTCGGTTCCGGCCATAACATTCCTCATGGCTGCATTACTCCGAATAGAACAAGTGAGACTAAACAGAAAAGAT  
GGTATAGCAAAGTGCTGGGAACAATATGCTGTGTAGCTGGGGCCACAGTGATCACTCTTACAAAGGTCCA  
ACAATATACAGCCCAACTCCTTCACTCCAAATTACACCCATCACCAACCGCACCCATTTTCGCTTCACTTGGGGAC  
GCAACCGGGAAAAGCTGGACCCTTGGCTGCGTCTTTTGTATCGGTCATTGTTGTCTTGGTCTGGATGGCTTGT  
TTTGCAAGCACCCGCTTGAAAAAATACCCAGCTCGTCTCTCTGTCACTTCTTACACTTGTCTTTTGAATAAT  
CCAATTTGTCATCATCGCTGCCATTGCCGAGCGTGATGCTCAGGCTTGGCTCTTCACTCTGGTGTTAAATTT  
TTAGCGTCCTGTATGCGGGAGTGGTAGCGTCAGGAATTGCTTTTGTGTACAGATATGGTGTATTCAAAGAGG  
TGGGCCGGTGTTCTTGGGAGGGATCATCGGAGCGGTATTGATCATCGCCGGTTTATACTTCTTCTTTGGGG  
GGGAACAGTTCTTCTTGGGAGGGATCATCGGAGCGGTATTGATCATCGCCGGTTTATACTTCTTCTTTGGGG  
AAAAAGCGAAGAGAGAAAATTTGCACTCGAGAAGGCTGCCATCCTCTCTGCTCCCGACCACAGTGGAACAAT  
CGAACACCTCCACACATCATCAAGCCCTCTCCATTACTCAGCCACTTCTCATCCATTCTCAAACGACAACGTT  
TGACATTACCCACACTCATAAATGTTTCAACTCTCACTTCTTCTTCTTCTTCTTTTACCTTTCCAAAGAG  
AAAAAAAAAAACAAAACAAAACAAAACAAAGGTTATGTGTGTATTAAGATTTTCTTTTCTTTTGGCCATCT  
TTTGTGACTTTGATTTTTTTCTTCTTTTTT

>trans\_c\_461 DQ205523|Vigna unguiculata digalactosyldiacylglycerol synthase 1 mRNA, complete cds

ATTTAGCACAGTCTGCAAAACAGAGTGTAACATTATTAGTTCCTTGGCTTTCATGTCAGATCAGGAGTTAGTT  
TATCCTAACCATCTCGCTTTAGTTCTCCAGAAGAGCAAGAGACTTACATTTCGTAAATGGCTTGAGGAAAGAG  
TTGGCTTTAAGCCCGATTTTAAATTTCATTTTATCCAGGAAAGTTCTCTAAAGAAAGGCGGAGTATCATACCT  
GCTGGAGATACTTCTCAGTTTGTCTTCCAAGGACGCTGACATAGCAATCTTGGAAGAACCAGAACACCTTA  
ATTGGTACCATCACGGCAGGCGTTGGACTGATAAATTAACCATGTTGTTGGTGTGGTACATACAAATTACCT



GGAATACATTAAGCGGGAGAAAAATGGCGCTCTGCAAGCATTCTTGTGAAACACATAAACTGGGTCAT  
CCGGGCATACTGCCACAAGGTTCTTCGACTTTCTGCTGCCACTCAAGATCTTCCTAAGTCTGTTATTTGCAATGT  
CCACGGTGTAATCCAAAGTTCTTAAAAATTGGAGAAAAGGTTGATGAGGATAGGAACTTGGGAATATAGC  
TTTTTCAAAGGAGCATATTTCTTAGGGAAAATGGTCTGGGCAAAAGGATATAGAGAACTCATAGATTTGCTG  
GCTAAGCACAAGCATGACCTTCATGGGTTCAACTTGGATGTGTTTGGAAATGGAGAGGACGCCACGAGGTT  
CAGAGTGCAGCTAAAAAGTTAGAGTTGAATGTGAACTTCTTGAGAGGGAGGGACCATGCAGATGATTCGCTT  
CATGGGTACAAAGTTTTTATAAACCCGAGTGTTAGCGATGTGCTCTGTACAGCTACGGCTGAAGCTCTTGCCAT  
GGGGAAGTTTGTAGTGTGTGCAGATCATCCATCTAATGATTTCTTCAGGTCTTCCCAACTGTTTGACTTACA  
AATCATCCGAAGATTTTGTGCTAAAGTGAAAGAGGCATTGGAAAACGAACCTCGGCCTCTTACTCCTGAGGA  
AAGATACAACCTCTCATGGGAGGCTGCTACTCAGAGATTCTTGGAGTATTCTGATCTCAACAAAGTCTTGAAC  
AGCGATAAAGAGCTAGAATCAAAAAATACCGATGGGAAGGCAATCAGGAAGTCAATTTCAACACCTAATCTG  
ACAGAAGTTGGTGATGGCGGTCTTGCAATTTGCTCATTATTGTCTTACTGGTAACGAACCTCAGACTTTGTAC  
CGGAGCGATCCCAGGGACTCGTGACTACGACGGACAGCACTGTAAGGACTTACATCTCCAGCCTCCTCAGGTT  
GAAAATCCTATCTATACATGGTAAAAGCAGATACATAACGAACTTTTACCTGCATAACTGTCTGTGAGGTAGA  
AAAAAGTGTGCTGAAAACATGTTCTTCCTTGATGCATAAATTACCAATCCCAA

>trans\_c\_462 AJ488194|Nicotiana tabacum mRNA for protein kinase Ck2 regulatory subunit 2  
(ck2beta2 gene)

AGAGAAATTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAAGAAGAAGCGGAAGCAAAGTGT  
CTCTTCCACTTCTTCAAACCTAGACCTCTCCTCCTTCGATTCTTCTTCCATCAAACCCACTGTTTTCTTCCCC  
TTTCTCCTCCATTTTTCTTCCACCTCCGTTTCTCCTCTTGCTGTTCTCTCCTCTAATGACTTCTCTCATTTCTTC  
TCTAAACAAAAACCCTAATCTCCCTTTCTTCTAGCTCCCCAATCCCCGAGTTCTGCTTTTTTTCTTTTGGAGGG  
GGTGGGGGGTCCCTCCATCACTTGTTTCAATTTGAATTTACAAGCTCTGATTTCTTCAAGATATGTATAGGG  
ATCGAGGAGGAGGAGGAGGGGGGGGATTGGTGGTTCTTCAAATCGGAGATCGTTGGTGCTACCTTGGATC  
GAAAGCGTATCAACGATGCTCTCGATAAACATCTTGAGAAGACTTCTCCCTCTACTTCAAGAGGTCTTCATAGT  
AAGGAGAAGGAGAGGCTCTCTGTGCCCTCCACTTCCACTGGTAAACCTCAGCTTGATCATCGTTCTGCCTCTTT  
ATCCAAGAATAAATGCTCCGATGAGGAATCTGAAACAGACAGCGAAGAATCAGATGTCAGTGGTTCAGACGG  
AGATGATACATCATGGATTCGTGGTTTTGCAATTTGAGGGGAAATGAATTTTTTTGTGAAGTTGACGATGAG  
TACATACAAGATGATTTCAATCTTTGTGGCTTGAGCAGTCAAGTTCGTAATGATTATGCACTTGATCTTATC  
TTGGATGTTGAATCTTCTCATGGTGACATGTTCACTGAAGAACAGAATGAACTAGTTGAGTCGGCTGCTGAGA  
TGCTGTATGGTTAATTCATGTGAGATACATACTAAGTGGCAAAGGAATATCTGCAATGCTGGAGAAGTATAA  
AAACTACGACTTTTGAAGGTGCCCAAGAGTGTACTGCTGTGGACAACCATGCCTTCCAGTAGGGCAGTCAGA  
TATTCCTCGTTCAAGCACTGTGAAGATATATTGCCCAAAATGTGAAGACATATATTACCCTCGTTCAAAGTATC  
AAGGCAATATTGATGGAGCTTATTTCCGAACACATTCCACACTTGTTTTTGATGACATACGGACACCTGAAG  
CCACAAAAAGCCACACAAGGCTATGTTCCAGAGTTTTTGGCTTCAAGCTTCACAAAAAGCATGATTGAGTTA  
GAAAGCTGCACTTGGGTCGAGAGATCCTCCGGTATTCATCCATTTTCAAATGTGCTGCCTGGTGCGATACTTCT  
AATACCCTCTGCGACGTGGCTGATGGATGCATGCACTCATGGTTCTAACTATCAAAGGTAAAATTACAGCCAG  
GTGTTCAAAAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_463 BT001018|Arabidopsis thaliana At5g10490/F12B17\_160 mRNA, complete cds

GCATTGGATCCAGTAGTTTTACCATCGGTAGCCAGTCAGGCTGTCAAACAACGACTTCTGAATTTTGTTAGATC  
TTTGTCTACTGTTCTGGCATTTCCTATTGTCTATCAAGCTTGATTCAACAAGTACAAAAGTTTGCTTATGAATC  
AAATGACTCAAGTGATGCAAGAAATATGGGCTTTGATTTGCCGGGAAAGCTGTTTAACTGCAGTCTGGATT  
GCTGCCCTTTCATTGTTTCATGGAATTGCTCGGCTTTTCTACTCAGAAGTGGCTCACTGCCGGAGGTCTCGGGAC

TGTATTGCTTACTCTTGCTGGTCGTGAGATATTTACTAACTTCCTTTCAAGTGTAATGATTCATGCAACACGACC  
GTTTGTGGTAAATGAATGGATTCAAACAAAGATTGATGGATATGAAGTATCAGGAACGGTTGAGCATGTTGG  
TTGGTGGTCGCCAACCATCATCCGAGGCGATGATCGTGAAGCGGTCCATATTCCTAATCACAAATCACTGTTA  
GTATTGTGAGGAATCTTACCCAGAAGACTCATTGGCGTATCAAGACTCATCTTGCCATCAGCCACTTAGATGTC  
AATAAGATCAATTATATTGTAGCTGACATGCGCAAAGTTTTGTCCAAGAATCCTCAAGTTGAACAGCAAAGGT  
TACACCGTAGAATTTTTTTGGATAACGTCAATCCTGAAAACCAGGCTCTTATGATCATGGTTTCTTGCTTTGTGA  
AACTTCTCGTTTTGAAGAATACCTGTGTGTGAAGGAGGCAATTCTCTTGATCTTCTCAGAGTTATCAGCCAT  
CATAGGGCCCCGGCTTGCCACTCCTATTCGCACTGTTGAGAAAATATATGGCGAGGCTGATTTGGAGAACGTAC  
CATTTTCTGAGACCATGTATTCTCGTTCAGGGGCTACTAACCGTCCTCTGCTTCTTATTGAGCCATCTTATAAG  
TCAATGGTGATGACAAAACAAAATCTCTAGTCGTCCCACTCGTTCATCAACTGAAGAAAAGGAAGCCAAACA  
AAAGGCAGCCTCGACGTGAGGACAAAAGCCCCGACACAACCTGGACCAACTTCAAATCTTGATATGAAAGC  
AGATGATAAAAAATCAATTTCTCCATCTGGTACTACACCTAAGCCTTCAGCCCCCAATCTATCAACCGGCAGTC  
CAGAACAAAGCAGTGCGGAAAAGCCAGTAACAAGCAATGAGATAAAAGGAGAAAAGAAAGATCTCTTGGGA  
CTGAATTCAAAGACAACATGCCACGAGGAACTCCGCCCCAAAGATCGCCTTCAGCTTCAGTCTGGGAGCG  
AGAAAGCTGATATTCTTTCAACAAGCTCGAAAATAAGCAAGATGGGGAGAAGACGTCTGCATCACCATCAGT  
GGTGAGGCCACCATTGGAGGAGAATATTGTGCTGGGAGTTGCCT

>trans\_c\_464 NM\_115296|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding (AT3G54360)  
mRNA, complete cds

AAGTTTAATCATTTTTGTGGATATTTTGAGAAGACTGGTGGTCGCGAACCCGAAGCGATTCCGATACCGACACC  
GTATGCAGAAATCTTCGTAGTTCTGGGGATTCTCAATTCGTTGAGCTTCTTAGGGCATTGATTTTCGGATTTCT  
ATCTTCCTCTTTGTGTTGTGAATCGGTTGAGTTTTCTCAAATTCGATTACGTTCAAAAAATAAGCTCTGAATTT  
GAGTTGTTCTCGTGGGAGATCGGTCCAGAATCGAGATGACTCCTGTTTGTCTTTTGTAATCTGCCCCGCC  
GATGACGTTCTTCACGGAAGCACCAAGGGGAATCTGCTTGTCTTTTCGCGAAATCCGGACGTTCTGATGATG  
CTTCTTCAAGAAAACCGCAATCCGAGTCTGCTTGTCCGTTTTCGAAATCCGTTTCGTTCCGATGATGCTTCTTCAT  
TGGAGAAGAATCAGGCTGAGGGGGAGAGTAATGGAGCGGAAAAAGATGTTGGTGATGCTGCTGGAGCCGG  
TGGCAAGTGTCCATTCCGATATGATTCTCAAACATTCAAGATTGGCCCTCTGAGTTGTATGATTTGTCAGGCAC  
TTCTTTTTGAATGCAGCAGATGTGTCCCCTGTTCTCACATTTCTGCAAAGCTTGATTTTCGCGTTTTAACGACT  
GTCCCCTGTGTGGAGCTGACATTGAGAAGGTTGAAGCAGACGACAATCTCCAAGCTACGGTCGATCGCTTCAT  
TGAAGGTCATGCCAGAATCAAGCGACCCCAGGTGAACTCAGACAAGGAGCAGGAGAAAGTTAATGAAAGTA  
AAGTAGTGATTTATGAAGACGTGTCCATGGAGAGAGGTGCTTTCTTGATCCAACAAGCCATGAGGGCATTTCG  
GGCTCAGAATATTGAAAGTGCCAAGTCCAGGCTCACTGTCTGTGTTGAAGACATTGAGATCAGCCGAGGGA  
AATGGGCAGTTCACCCGAATTGTGCTCCAGCTTGAGCAGTTCTAGGCACACTTGGTGATTGTTGTGTCAGCA  
GCTGGAGATGCTGCTTCTGCAATCAAGCACTTTGAAGAAAGTGTAGAATTTCTCTCAAACTGCCTGAAAAGA  
CTCACGAGATCACTCATACACTTTCTGTATCACTAAATAAAATTGGCGATCTAAAGTACTATGAAGGAGACCTT  
GAAGCTGCAAGATCTTATTATCTCCGGTCTCTTAACGTTGACAAGATGCGAGCAAGCATCATCCAGATGATCC  
AGCTCAGATTCTAGATGTGGCTGTTTCGCTTGCAAAGGTGGCCGATGTAGACAGTGGTCTAGGAAATGAGGA  
TATGGCAGTTGATAGATTTCAGGAAGGCATTAAGTTGTTGGAATCATTATCACTGAATTCTGAGAATCCAGCTC  
TTTCACACCGAGGTGAATCTGTTTTGAAGTTCCTTGGAAGTCAACTTGC

>trans\_c\_465 BT009657|Arabidopsis thaliana At4g12590 mRNA, complete cds

GCGACGGACTGATCACAAAACACTCCATCCCTCTTCCCTTTCGTAGTTCCACTTTGAGGAGTTCGCCCCGTCCGA  
TCCAGTAATGGCGGAAGATCTAGTGCTCGACACGGCCATCAGAGATTGGGTGCTGATTCCGCTCTCCGTTGTC  
ATGGTCCTCATCGGAGTTCTCCGCTACTTCGTCTCGAAGCTCATGCGCTCGTCTCCAGTCCCCGATGCCAAAGT

CGTACGAGAAGGGCAAATCGTACTTAGGGCTCGGAATTTACGTTGCTGCTAATTTTATCCCCACAAGTCCT  
TTCGTTCCCGCAGAGTTTATTACGGCAATGAGGAAAATGGGCTGCTCTATGTTCCCAAAGGCCAGGCTCAAAA  
TGCACAAGCACAGATGTTTTAGATCCAAATATGGCAATGGATATGATGAAGAAGAATCTCTCCATGATTATA  
CCTCAGACTCTTACTTTTGCCTGGGTCAACTTTTTCTTCTCCGATTTGTAGCAGCAAAAATACCCTTTCTCTG  
ACTCAGAGGTTCCGGTTCGATGTTACAGAATGGAATCGACTTGAGTACTGTGGATGTCAGCTATGTCAGTAGCC  
GTTTCATGGTACTTTCTAAATCTGTTTGGATTAAGAGGTTTATTGAGTCTCATTCTGGGAGAAGAAAATGCAATG  
GATGATACACAGAGAATGATGCAAAATGCTGTTTGGCATGGACCCAACAAAGGGTTTGAGTGCCGAGAAA  
GACAACTTAGACATAGTGCAACATGAATGGGTCTTGCCCAAGTTTGAGCATCGTGCTGAAGCTGTTTTGAGAA  
AGATTGTCAGCTGATTGGTTTCTGGCTCACAGGTCCTCTACTAGTATATTTTCTATGATTATTACGAGCTAGGTA  
CTCCTTTTTGGGATTGTTGTGAACGCAGAAAATCTGTTTTATCGAACTTGGAATTTGTAACAGTAAATTATTTT  
TAGTCAATTAATAGCAATTTGGATCTTTCCAAGTCATGTACAATCAACTTTTATAAAAGGATACCGTTAAAGAT  
GGAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCGAAAAATTTAAAA  
ACCCCCCACCCGGGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTTCCCCCTAAAGGGGGTCAAATAACCCCCCCCCCGGGG  
CCCCTTTTTTAACACCCCGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTAACCCCTTTGGAACAAACCCCTT  
TTCCCCGGGGGGGAAAAACAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTTCCCAAATTTGCCCCCGAAAGGGGA  
AAGGGGACCCCCCTGAACGGGCCATTACCCCGGGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_466 AF033562|Canavalia lineata ornithine carbamoyltransferase (OCTase) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AACGAACAAACGAACGAATGGAGTGAATAAGCCTCATTTTCATTTGTATTTATATTGGACTTCCCAAACGAAAT  
TACTACACTTTACATTTTATAATTTCCGTAGAAAATCGGTTGATTCAATACATATTTCCAAAAAGTTTGAGACAC  
TGTGAGAATCAAATCAACCGAAGGAGATTATACCTCGTCGGATTCGATACCTTGACGGCTTCGATATTCGGA  
ATCGGTAGTTCACCAATCCCCATTCCACCCAGAAGCAATGGCAGCCGCTTGCTCTCACTCCACTATTCCATC  
GCATAAACACTCCCTCTCTACTCACTTCTACTCCACCAAGTCTCTCCACGATCGGTGAAGTTTTTTGGCGACGT  
TTCGGGCTTTGCTCTCCCTACTCCCTCTAGGTTTCCTCTCGTTTTCTTCAATCTCTTGCCAGACCTCTGCCACTT  
CTCCTCCTTCCCTCGCATCCAAAGTGAAGACAGAGAAGAAGGATTTCTTACCTCAGCGATTTTGATAAATCC  
ACCCTCTGAAGATCTTAGACCGTGCGTTGAAGTTAAGGCGCAACTGAAATCTGGTGATAGGTCATTTCTCC  
CATTTAAAGGGAAGACAATGGCGATGATCTTTGCAAAACCATCCATGAGAACCAGAGTTTCATTTGAGACTGG  
TTTCTTCTTGCTAGGGGGCCATGCCATATATTTAGGGCCCCGACACCATCCAAATGGGTAAAAGAGAGGAACT  
AGGGATATTGCTCGTGTTTTGTCTCGCTATAATGATGTCATAATGGCCCGTGTTTTTGGTCACCAGGATATTCTT  
GATTTAGCTAAATATTCCACCGTGCTGTAATAAATGGTCTGACGGATTACAACCATCCATGTCAAGTAATGGC  
CGATGCACTCACTATGATTGAACACATTGGCAAGTTAGAAGGAACTAAGGTCGTGTATGTTGGAGATGGAAA  
TAACATGGTGCAATTCATGGTTGTTCTTGGCATCAGTTGTACCCCTCCACTTTGTTTGTGCGTGTCTAAAGGTTT  
TGAGCCAGATAAGAATACAGTTGAAAAGGCCGACAAGCTGGAGTTAGCAAGATTGAGATTACTCATGATCC  
CAAGGAAGCAGTGAAAGGAGCTGATGTTGTATACTCAGATGTCTGGGCCAGCATGGGACAAAAAGAGGAGG  
CTGATTATCGGCGTCAAGTGTTTCAAGGCTTCCAGGTTAACGAAGAGCTGATGAACTTAGCAGGTCCAAAGGC  
TTATTTTCATGCAATTTTGCCATTCATGTTTCAATAATACTATGCCAAAGTTGGCTTCTGATTCTTACCCACTTT  
TTGCACTTGGAATTTGTACCAACCCCTCCCCTTTTGCTTTTTCTTGGTCGAAATGTTATGACCTAAGCACTTGGTTT  
CTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_467 AJ007588|Arabidopsis thaliana mRNA for monooxygenase 2

ACAAAAATGTAATTATTGCAAGAGGCAGCCTACAGTCTCCAATCATTTCTTCTCCCTCTCTTAACATTTTTTTT  
TCTCTCTATAAATCCAAACAGAGCAACTTCTAATCCCAATCATTTCTTGAATCATCCACACAATTGAATTGTTTA

CTCTGCCGGAATCATGGAAGAAAAAGGTGATGTTGAAGAGATAGTGATCGTCGGAGCTGGAATCTCAGGTCT  
CGCCACTGCCTTGGGGCTTCACAGGTTAGGGATTGGAAGCTTAGTATTGGAACTTCCGATTCTTTGAGAGCC  
GCTGGTTATGCTTTGACTACATGGAATAACGCTTGGAAAGGCTCTCGATGCCTTGGGAGTCGCCGATTCTCTCC  
GCCTCCGCCACGATCGCCTCGCCGGAACGTCACTTTCTCGGCGGTTTCCGGGAAGCCAACCTCGAATTTGCTC  
TTTACGGGTCACCGGTGAGTTATTTATTTATTGGATCGAGAAGAAATAATTTTTTCAAATAGAAAGAATGTTA  
TAGTTACAAATAGAGTGATTCAAATAATTAATATATATCGATATTTAAAAATTTACGGATATAGCAAAAAT  
TATCAAATCTATAGATGGTATCTGAGAGTGATAGACTTTACTATATTTACAATTTTGTAGAAAATGTTTATATAA  
TTGATAATTATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAA  
AAACTAAAAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGCCCGGACCCCAATCCCCCAAAAAGAAGCAAAAACCC  
CCCCCCCCGGCCCCCTTTTAAAAACCCCCGAACGGGAAAAACCCGGGCTTCCCCAACTAAACCCCTTGAAC  
CAAACCCCCCTTCCCCCCCCGGGGAACAAAAACAAAAACCCCCCCCCAACCCCCCCCCCAAAATTTCCCCACC  
CAAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCCCCCAAAAAACCCCGGCGGGGGGGGGGTAAACCCCCACCGG  
AACCCCAACCTTCCCACCCCCAACCCCCCCCCCTTTCTTTTCTCCCTCCCTTTCCCCCCCCCTCCCCGGTT  
TCCCCCCCCAAACCCAAAACCGGGGCCCTTTAGGGTCCAATTAAGGGCTTACCCCCCCCCCCCCCAAA  
AACTTAATAAGGGGAAGGGTCCCCGAAGGGGCCACCCCCCAAAAAACGGTTTTCCCCCTTTAACTTTGA  
ACCCCACTTCTTAAAAAGGGAACCTTGTCCCAAACGGAAAAACACCCACCCCAATCCCGGCCAATCCTTTT  
AATTA AAAAGGAATTTCCCGATTTCGGCCAATTGGTAAAA

>trans\_c\_468 FN552254|Citrus clementina mRNA for aconitate hydratase 1 (aco1 gene)

TTCCCTTGAAAGAGATGAAAGCTGATTGGCATGCATGCCTTGACAACAGAGTTGGATTCAAGGGTTTTGCCAT  
ACCAAAGGAAGCTCAAGTAAAGGTTGCAGAGTTCAATTTTACGGATCCCAGCTCAGCTTAGGCATGGGGA  
TGTTGTAATTGCAGCTATCACTAGCTGCACAAATACCTCAAACCAAGCGTTATGCTTGAGAGCTGCTTTGGTGG  
CTAAAAAGGCTTGTGAGCTTGGGCTAGAGGTTAAGCCCTGGATTAAGACGAGTCTTGCTCCAGGCTCTGGGG  
TGGTGACGAAATATTTGGCGAAGAGTGGCTTGCAAAGTATCTTAATCAGCTAGGATTCAATATAGTTGGTTA  
CGGATGTACTACTTGCAATTCCGGAGATATTGATGAATCCGTTGCTTCAGCAATAACCGAAAATGAC  
ATAGTTGCTGCAGCCGTACTGTCTGGAAATAGAAATTTTGAAGGTCGTGTACACCCTTGACGAGGGCCAACT  
ACCTTGCTTCTCCTCTTGTGTTGCTTATGCTCTTGCTGGCACAGTGGATATCGATTTGAAAGTGAGCCTA  
TTGGGGTGGGAAAGGATGGAAAGAAAGTATTCTTTAGGGACATTTGGCCAACTAGCGAAGAAAGTTGCAGAA  
GTTGTAAACTCAATGTGTTGCCTGACATGTTTCGTGCCACATACCAAGCGATCACGGAAGGAAATGCAACTT  
GGAATCTTTATCGGTTCTGAAGGAACACTCTACTCCTGGGACCCAACATCGACGTACATTCACGAGCCTCCG  
TATTTCAAAGATATGAGCATGTCTCCTCCAGGGCCTCATGGGGTCAAAAACGCATACTGCTTGCTCAATTTGG  
TGATAGTATTACAACTGATCACATCTCACCTGCTGGTAGCATCCATAAAGATAGTCCTGCTGCCAAGTACCTTC  
TCGAACGTGGGGTTAATAGAAGAGATTTCAACTCTTACGGAAGTCGCCGTGGTAATGATGAGATTATGGCAC  
GTGGCACTTTGCGCAACATTCGCATAGTCAATAAACTATTGAAGGGGGAAGTTGGACCCAAGACGATTACAT  
CCCCAGTGGGGAGAACTTTCAGTATTTGATGCTGCAATGAGATACAAGAGCGAGGGGCAAGATACAATCAT  
TCTCGCTGGTGCCGAGTATGGAAGCGGAAGTTCTCGTGATTGGGCTGCCAAGGGGCCAATGCTTCTGGGTGT  
TAAAGCGGTTATAGCAAAGAGCTTTGAACGTATACACCGCAGCAACTTGGTCGGTATGGGTATCATTCCTCTA  
TGTTTCAAGGCTGGGGAGGATGCCGATTCTCTGGGATTGACTGGGCACGAACGATTACCATCGATCTTCCAA  
GCAATGTGGGTGAAATCAGACCTGGTCAGGATGTGGCTGTGGTGACAGACACC

>trans\_c\_469 AY072801|Cucurbita maxima phloem calmodulin-like-domain protein kinase PCPK1  
mRNA, complete cds

TGAAGCCAGAAAATTTCTTGTTGGTTAACAAGGATGATGACTTCTCTCTTAAAGCTATTGATTTTGGCCTCTCT  
GTTTTCTTCAAACCAGGTCAAATCTTCACTGATGTTGTTGGAAGTCCTTACTATGTTGCTCCAGAAGTACTTCTC  
AAGCACTATGGACCGGCAGCGGACGTGTGGACTGCAGGGGTTATATTGTATATATTGCTAAGTGGTGTGCCA  
CCATTTTGGGCAGAACTCAACAAGGAATATTTGATGCGGTGCTTAAGGGACATATCGACTTCGACTCAGACC  
CTTGGCCCCCTAATATCTGACAGTGCAAAGGATCTAATAAGAAAGATGCTATGTTCCCGACCATCAGATCGTTTG  
ACTGCACATGAAGTATTATGCCACCCTTGGATTGCGAAAATGGAGTTGCTCCTGATAGGGCTCTTGATCCAG  
CTGTACTTTCTCGACTCAAACAATTCTCTGCAATGAACAAGTTAAAGAAGATGGCACTACGAGTGATTGCTGA  
AAGCCTTTCTGAAGAGGAGATTGCTGGCCTAAGAGAAATGTTTACAGCTATGGATACTGATAATAGTGGTGCA  
ATTACTTTTGATGAGCTCAAAGCTGGTTTGAGAAGATATGGTTGACCTTGAAAGATATCGAAATACGTGACC  
TGATGGATGCGGCTGATATTGACAATAGTGAACAATTGATTATGGAGAATTTATTGCGGCAACCATTCATCT  
CAACAACTAGAGCGTGAAGAACATCTTGTTGCAGCTTCCGATACTTTGACAAGGATGGAAGTGGTTATATC  
ACAGTTGATGAACTGCAGCAAGCTTGCGCTGAACATAATATGACCGACGTATACCTCGAGGACATAATCAGA  
GAAGTCGATCAAGATAATGATGGAAGGATCGATTACGGTGAGTTCGTTGCCATGATGCAGAAAGGCAATGCA  
GGAATTGGAAGACGAACTATGAGAAATAGTTTGAATTTGAGCATGAGAGACGGACCCGGTGCTCTTTAGCTT  
CCGAACTGCATGCTTGTACAGTTGTACAGCGGATATAGAGCTGGGGAATTGACACTTTCCTAACACGATTGA  
GCTCCTCTTCTCTAGTTTCTAGGACTGTTTGCGAGGATTTCTATGGTGAAAACCTCAGCTCGAGCATCTCTTTA  
ATATTTCTTCTTATTGCTGTATAGCCAAATGATGATGTGGTTAGAAATGAACTTTCAGTGTGTGAAAGTGCAA  
GAGCTGTTTGAGTTGCTAGGTTCTTTGCATAACGTTTTTCTATTGGGGATTATATTATCTGTTTGTATAGATAC  
TATCTTCTACCTCTGGCTCAGATTTCAATCCAATATTGTAACTTTTCTCTCCATTGCTAATTCTATCAAGTTGCACT  
TGTTCCACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_470 BT025975|Arabidopsis thaliana At2g18245 mRNA, complete cds

AACGCAGCTTTCGGGAAAGAAAAATCTCTCTCCGACTCAGGCCATAGTTCAGAAGCTGGCTTTGGTTTTGGC  
CGGAAATTTTGAGAAGCAATACCTAATCTTCTCAAACCTCATCGCCGGAAGTCCACCATGGAGGCTCCAGTT  
AGGGCATTTCGCCCCTGCGTTCTTAATCGCGGCTTCTTCTCAAAAACAATTCCTCAATCTCGCCTCGTTTCATTT  
CCTGAATCTAATCGGAGCGCGATTTTCGGCAATCTTCAACCTATTTCCACTTTTCTCCTTCTCGCAAGTACTTC  
GGTTCCAAAATTTCACTCTCACTTAATCTTTCTCACTGCTCCTCCTCGTCTTTGGATCTTCCGCATCTTCTCTTGG  
TTCCATCCCTTCTAATTTTCTTCTTTACCCTCATTACAATCTTTCGGCTCTCAACTTGATCTGATTACTTAA  
GTTCAATTTCTATCCGAGTCAAACGGCAGTGACTGGACTTGGAATCGAGCTTCAGAGAGTGCAATTGGAAACAA  
CGTAGGGATTTTGAGGGCGAAAAGGGGGCGGCGACCGTTGTTTTGTTAGGTTGGCTTGGGGCAAAGACTA  
AGCATCTGAGGAGGTATGTGGAGTGGTACAATGCGAGGGGTATCAACGCTTTGACGTTTATTGTAGATCCGA  
GAGAGTTTCTTTGGTTGCTTTGAGTCGGAAAGTTGAGCAGCGGATTTGCGATTTGGCGGTTGAACTAATTTT  
CTGGTTGTGCGAAGGGGAAGAGAGTGATAAAGATCGATCCCTGATTTTTCATACTTTTAGCAACACGGGCTGG  
TTTATATACGGAGCGATTCTTGAAATTTTACAGGGGGCGGAAAGATTTGTTAGAGAAGATTAAAGGGTGCATCG  
TTGATTCTGGAGGAGGCGATCCGTTGAATCCGCAGGTTTGGGCAGCTGGATTTTCTGCAGCCATCCTCAAGAA  
AAATAGTTCTTCTGCATCTCCAATGGTAAATGGAGAGGAAATAGACAAGAAACCTCTTCTCTTGAAACCATTT  
TCCTATCATCATTAGAGAAGTTCTTCTCGGTTGCATTGAAGTTGCCAGATGTTGATAAGAGATTGAACAACATT  
GTTTCAGTTCTTACAGAGAATCAACCTTCATATCCTGAGCTTTACCTGTACAGTTCAGGAGATAAAGTTGTACC  
TTACAAGTCAATCGAGTTACTTATCGAAGAGAGGATGAAGACAGGAAGGAAGATTTTTTCGTACAACCTTCGGC  
ATGTCGCCGCATGTTGACCATTACAGGACGTACCCTGATATATACTCATCACAGCTTCACAAATCTTGATAGA  
ATCTTTTTCTTCATAGGCTGTTTGAGATATGGATTTAGAAGGAAGTGAATAATTTTATTACAGCAATAATTGG  
ATTGGCTAAAAAATTCATATGCAGAGATATTATACAT

>trans\_c\_471 AY650029|Lycopersicon esculentum cultivar TA496 succinyl-CoA ligase alpha 2  
subunit mRNA, complete cds

AGGCGAGTGAGAAGGAAAGAAAATATAATTCCGAGTGTGATACTCTGAAGAAGGCGGCTGCGCCGAAAATC  
GAACCAAATCGGAGCCAAACGATGGGTCTCAAGCTGTTGCCAAGCTCATAGGGTCGGCCATTAATCGCAAA  
ACTTCTTCTCTTCATCATCATCTTCTGTGTTTTCGCGTGCGGCGTCGCAGATTCCGGCATTACTCCGCTTCTCCGT  
CACCTCCACCGGCAGTTTTTTGTTGATAAGAACAACCTCGCGTTATATGTCAAGGGATCACTGGTAAAAACGGTAC  
ATTTACACAGAGCAGGCCATCGAATACGGCACCAAAATGGTTGGTGGTGTAAACGCCAAAGAAGGGTGGAAAC  
AGAACAATTGGGGCTTCTGTTTTTAACCTAGTTGCTGAAGCCAAGGCTGAAACGAAGGCCAATGCATCAGTT  
ATTTATGCTCCCCCGCCATTTGCTGCAGCAGCTATCTTGGAGGCAATGGAAGCTGAATTAGATCTTGTGTTTTG  
TATAACGGAAGGGATCCCAACATGATATGGTGCAGTAAAGGCTGCTTTAAACAAACAATCTAAACTAGA  
TTGATTGGCCCTAATTGCCCTGGCATTATCAAGCCTGGAGAATGTAAATCGGAATTATGCCTGGATACATCCA  
CAAACCTGGCCGCATTGGCATAGTATCACGATCTGGTACCTTGACCTATGAAGCTGTTTTCAAACGACTGCTG  
TTGGCCTTGGACAATCCACATGCGTAGGTATTGGAGGGGATCCCCTAATGGGACAAACTTTGTTGATTGTAT  
CGAGAAGTTCCTTGCTGATCCTCAGACAGAAAGTATTGTTCTAATCGGAGAAATAGGTGTAAGTCTGAAGAG  
GATGCTGCCGCTTGATAAAGGAAAGTGGGACTGATAAGCCTATTGTTGGATTCACTGCTGGCCTAACTGCTC  
CTCCAGGCCGTCGCATGGGTCTGCTGGCGCCATCGTCTCAGGTGGAAAAGGAACAGCCCAACACAAAATCA  
ACACACTACGAGAAGCTGGAGTAACGGTGGTGCAGTCACCTGCAAAAATTGCCGTGCAATGCTTGAAGTTTT  
CAAACAGAGAGGCCTCGTTAGTTAGATTGAAAATCTCAAGTTCTGAGTTCCACCAGTTCCATTTTAC  
ACACAATTTGGAGTTCTGCTTCCACCTAAAATGGTGTAAAATTTCAATAAGGTACCCAACTTTTGTTGTTAA  
GATATTTTTTGGAGCATTCAATGTTTTGAGTTCCGGAGCCTCCGACTGTTGGAGATTCATTTTAAACTCACTTA  
GAGAGATACTTTGTGTTTGATTCATTTTCGGTTTCTATATTAAGTAATTATAATACTGCTGACTTCTGTGCCTCC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_472 FJ604859|Vitis vinifera strain SK01 shikimate kinase mRNA, complete cds

CTCTTTGTCCCATTCATATCTCCTGCTTCGCTTTTGCTTCTGATTCCATTTATTTCTTCTCCCTTTCCCGTCCTTC  
CTATGTTCTTCTTCTTCATCTTGTTCGCTTCTCCTTCTCTTTCTGCTGTGCTACCTGACATGATTTGATTCCAT  
TTGAGAATTCGCCGCGTCCGATTCTTCCACTCCGTAATAATTCCATATTTCTACAGCTGCCGATCGTTGACCG  
CGACACCTGTTCTTCTGGTCTGTTGTGGGTATCTGTCTTTAAAGGTTAATAATCCAGGTAGCTGAGGGACAG  
AGGTGGTTTGGTAGGGACTATGGAGGCAAACTTTGGACATTTGCAGCATTTATCAATCCGGATTGATTTCCGA  
ACGGTTGTGAGGAAACCGAGTGGTTCGGTTCGATTTCTCAGCCAATTTCTGATCGGCAGAAGCTTCCAGGGC  
TTGTTTCGGCTTTTCAGCAACCTCTGAGGCTTTGAATCGATGCAGGACGGTCTCTGTGGAGACTTCTGTTAT  
CGTGAGAATATTTCAGAACAAAGTCACAAGAGGTCCGGCCCCCTTCTAAATGGACGATGCGTATATTTAGTTGGA  
ATGATGGGCTCTGGAAAGACAACCATAGGCAAGATTCTAGCGAGAGAATTGGGTTACACATTCTCTGACAGC  
GATACATTGGTGGAGCAAGATGTTAGTGGAAACATCAGTGGCTGACATTTTCAAGCTTCATGGCGAGGTTTTT  
TCAGGGATAAGGAGACTGAGGTATTGAAAAACTATCATTGATACACGGGTTTGTTATCTCCACTGGTGGAG  
GTATTGTTGTTGGCCTATTAACCTGGAATATATGCGTAATGGGATTAGCATCTGGCTAGATGTGCCGCTGGA  
AGCCTTGGCAAAGAGAATTGCTGCAGTAGGTACTGATTCTCGCCCCCTTGCACCACGAGTCAGGCAATGCC  
TACATGAAGGCTTTCAGACGATTGTCGGTCTTCTTGAGGAAAGGGGTGATGCATATGCCAACGCCAGTGCCA  
AAGTTTGTTTAGGAAGTCTGCTGACAAGCTAGGGTTGTCAGATGTTTGAATCTTACACCTGCAGATATTGCT  
ATAGAGGCGCTTACAAATTCGGCACTTCTAGAACAGAAGGATGATTATGCTACAACCTTAACGTGGAATTCA  
TTGCTTCTGAGCTCATTGTATAATCATGGGATGGTAAGTGTCTTTCGATGCGGTCCATTTGAAATGTTAATGC  
GTTGTGTAGTATGAAAATTTGAGGTTAATGAAATTTGTGTCTATATAAATATATAGTTGCAAAGACATACCAA  
ATAAATATGTAACTATTGGAGTTGTAACCTATAATTTACGTGTTGTTGTTGATTACAATTTTATTTTCGTACG  
ATGGTCCATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_473 AC069326|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T24G5 From  
Chromosome V, complete sequence

ATTCGCCAACTCACCGCTGACAATTGATAGTTTGATGAAATAAAGCTATCCGGACTCCCTATGGTCAAAATTCT  
GATACAGTTATTTTCCCCTTGCCTTTTCTTCCCATCAAAACAGCTGAGATTTATGAAGCCTGAGGGCCAGCCTA  
CTGCCTAAACCTGAAGACCAGATGAACCAGAGTTTGACATATTCATTGCCACCTTGATGCTACCTTTAGAAGA  
ACCATGCCTGAAGATCCTGTTGACTCTTAATTTTAACTTGTCACATACCAAGATGACCATGCACAAACTCTTGA  
GCTCCTTAAGAACCTACTAGCTGAAATGCCTTGGCTTTTTTTCTTGTTTTCTGCTCAAAGATTGAACATGA  
AACCATGTTGACTTCCGCATTGGACACTTGTGGAGTTTCGTTTTGTGTGCTTTACTGCTATAAGATTGATTAGA  
GTTTGTGATGTCCTTGAAACTCTGCTTTGTGTTTTTCCCCTTTTATACCCTTGAGTGCACCCCTCTTCTGCATCA  
TCTCCTAAATTGTGCAGGGTTTGAATGTCAAGTTCTACTCTTGACCCCAATAGTCATTGTTTTTTGGCGAT  
ATAAACGCCCCTACTTCAGACTTCCTAATTTCTATAAAAGAAAAAGATTCATCGAGTCTTATTAGAAGCTGTCTT  
TCTTTGTCAATACTTTGGGATGGTGCCTACAGGTGCCTTTGGATTAGTGGGTGTGTGGCCTTTGAATTACTGG  
GTTATCCAAAAGGAAATATAAAAACCTGATAGTTGTTAAGATTATGGTATAACCAGCCAAAAAAGAGAAGG  
AAAGGACGTCCATTTTGTCTTCAATTCTCAAGCTCTATACCTATTAAACACACCGAAATCAGAAATAATACGT  
GCTCAATGAAGCATGCTGTTTTATTTATCCATTACGTGTAGAGGCAATATTACCATACTTGACAAGGCAAAGG  
TAAGGTTTCGTTTTGAAAATGCACTGCTTTGCTTATTGTTTATGTTGTTGGTCAGTCTAGTGTGATTTTATAGG  
AATCGTCTACAATGCCTTTCAATATCTTTGTGTTTCTAGCATGGTTTACAGCATTTTATCTTCAAAGGACTTT  
TTCTGATTAACATAGCTGCGAGGTCAAGCCGAAACATGCATGCCAAGTTATTGGTACTGTGTGCCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACCCTTCCTCCATGCAAGGATTTAACTTAATCTGATCCTGGACATGGTCTATGCTATAAGC  
CTCTAGTTCTTGCTTGGGAACCTTGATAGTTGGAAGTATTACGATAATCGTGGCAGATTCTGTGGTATAATTAGTA  
TTAGCTGTTGCTGAATGCAAGGGAGTTTACAACCTCATATGGACCTTGAAGGGTTTATTGGCTTCTAGGAAT  
TGAAGGTTAGATTAATGTACTT

>trans\_c\_474 XM\_002882978|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing protein, mRNA

CAATCAAGCGAGGACTCATTTGGGGATTTCAGAATGCTCCTAATCCAAGCACTACAACATTTCTTCAAGCA  
GATCAAACACAAATGGAGTTGATTTCAAGGGATCAAGTTTTAATTCTGGCATAAACATGGGTGATTTTGAAT  
GCCTACAATGGATTTTCATTCCAAGGTTCAAGATACTGTTACAGCCACAGCCAGTGATCCACTTGATATGTTGT  
TTAGCTCATCAAAGCCCCAGCTGAAGGGCCTTCCTTGGCATCTGACACACCTGGAGCATCGCAATCATTGGA  
TGCCGATGATTGGGGATTGGATTCGGACTTTGGGGGAGGTGGCCATGACGTGGGTGGTTCAACAACCTGAGAT  
TGAAGGACTTCCACCACCTCCTGCGGGGGTGACAGCTTCTTCAGCAAAGAACAAGGGAGTCGATGTCTACAG  
GCAGGGGCAATGCGCCGATGCTATTAAGTGGCTTTCTTGGGCTGTCACTTTTTTGAGAAAACCTGGTAACAAT  
GCTGCCATAGTTGAAGTTTTGTGACACGAGCTTCGTGCTACAAAGAAGTTGGGGAATATAAGAAAGCTGTA  
GTTGATTGTGCAAAGGTATTGGATCAGGACGATGCAAATGTGACTGTTCTCGTTCAGCGTCACTTCTATATG  
AAAGTATGGAGAAATACAACTTGGAGCCGAAGACCTGAGGGCTGTCCTGAAGGTCGATCCAGGTAACAGA  
GTTGCGAGAAGCACAATCACCGTTGACTAAGATGGCAGGGTAAAGGTTCTTATCACAATTTTGGCTGATGA  
AGTTTCTTGAATATAGAATCACACTGGTTCCTCTCATGCTATCTAAATTTGGTGGTGAATGACTCCATTTTTCG  
ATTACATGGTTTGGTTTTGTATGTGTGCCCCCGTCCCTTGTGATGCTTTTAAAATACATTACGTACTTGTATTGT  
TTATGACACAAAAGAAAAAATCTGTGCTCTAGTTGATTGTTCTGTACGATGGCCATGAAATTCAATATATTCA  
ATTGCTTTTCTGTCAAAAAATCTGTGCTCTAGTTGATTGTTCTGTACGATGGCCATGAAATTCAATATATTCA  
AAAAAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAACCCCCAACCCGAGGGGGGCCCCGACCCCATTTCCCCCTAAAAGGGGTGCAATTACCCCCCCCCCGG  
GCCCCCTTTTTAAACCCCGGGACGGGAAAAACCCGGGGGTTCCCAATTAAACCCCTTGAACAAAACCCCC  
TTTTCCCCCGTGGGGGAAAAAACAAAAGGCCCCCCCAATCCCCCTCCCCAAATTTCCCCACCCTAAAGGGA  
AAAGGGAACCCCCCTGAACCGGCCCTTAACCCCGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_475 GU732461|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D37)  
mRNA, complete cds

GATCTCTCAACTCTCATTTCGGGAGAGAGAGATAAAACCGACCCTTTGAGGTTGAAGAAGAAGGAGAAGGAA  
GAACCAGAGACAAAAATGGCGATCCATAATTGACCCTCCCATTCTATACGATGCGATTTTTCCCTCTTTCATCC  
ATGCGGCGAGGCAGACCCTCAGATCCATTACAGCTACAGAAATCCCAATTCAACCATTAGCCGGAAAAATC  
CTCTCAAAGAGATTTCGTTACAGAGGCGTTCGTAAGCGCCCTTGGGGTAGGTACGCTGCTGAAATCAGAGATCC  
TTGGAAGAAAACTAGGGTTTGGCTTGGTACCTTTGATTCCGCTGAAGAGGCTGCTCGGGCTTATGATAATGCC  
GCTCGAACCTTCGGGGTGCCAAGGCCAAAACTAACTTTCCTTTACATCCATCCACGATTTCCATTCAACAACA  
AATTCCTTTTTACCAATCTCCCCCTGATTTGCACGATTGCAATGGTTTTGGTGCTAAGATCGAGTGCGTTCAGG  
CCAATAGGCCTACATCTAGCAGTTTGAGTTCTACCGTGAATCGTTTAGTGGACCGCGGATTTCTAACCTTTG  
TCGTCCCTGTCTATGGTTCGTGCGAGGCCGGTTCAGCCAGTTTCGCCAGATGATTGTCATAGCGACTGTGATT  
GTCTTCCTCGTTGTTGATGATGATGAGGTCTGTGTTCTTGCTTCTTCCGTAGAGCTTTCCTTTGATCTTAA  
CTTACCACCTCCGATGGACGTCGTGGATTTAACCGGTGATGATCTTCAAGCTACTGCTTTATGCCTCTGATGAG  
TGATGATACCATGTTTGCTTTATATCATCATGGTTTGAAATGGTCTTTTTTCCACATTTCTTCTGTTTTTCTAT  
CTTATTTTCTCGGGAACAACTAACTGAAGAATTTTGAATATGGTGGTAAGTTGAAGAGAAATTCGATCG  
GCCTCTCCACTCTTCTTTTTTACTTTGTTGGTCTTCTAGAACTGGGTTTCCCTTCGACGGCCATGGTGCTAT  
AAAATGTTGTCTGTATCATTGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAATTTACCACCCCCCCCCCCCCCGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCCCAATGAGGGAAAATTACCCCC  
CCCCCACGCCCCCTTTTTAAAAACACCGAGAAGAGAAAACCCCGGTTTCACCCCACTTAAAGCCTTTGAGAA  
ACCCCCCTTTTCCCCGGGGGATAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_476 BT005233|Arabidopsis thaliana At2g45360 mRNA, complete cds

AAAGAAAAAACTATTTTCAGTTTCTCACAACCAAACCCAACTGTGAACTTTCAGAGAAAAAAACACACCCA  
ACGGAAAACCCTAAATTACAAATCGTATCCAAAGAGGGGGGGGGGATAGGAATCGTACAGGCGATTTGAGA  
AATGAAGCTCGTTTGGTCCCCTGAGACGGCCTCAAAGCCTACATCGACACCGTTCAATCTTTTTGTGTAAAGT  
GTGATCTCCATCAAGAATCCGGCGTTGCCGAATGATTTAGCGATGGCGGCGGGATGGAACGCGCAATTCA  
TCGTGGAGACGTGGTTCGAGCGGCGGAGCGATTGCCACTAGTATAGGTCTAGCGGTGGCTCGCCGTCACGTG  
GAGGGAGACACGTGTGTGTGTTCTGATGAGAGATCGAGAGGAGAATATTCGAGAGCGATGGAGAGAGC  
AGGATTATCGCCGGAAGTATCGTGGGAGAGCCAGAGGAGGTGATGGAAGGATTAGTAGGTATAGATTTTC  
TGGTGGTGGATAGTCAGAGGAGGAATTTAGCCGAGTTTGAAACTCGCTAATCTGAGTTCTAGAGGCGCGG  
TTTTGATTTGCAAGAACGCGAACTCGAGAACCGATTGAGTTTCAGATGGAAAAGTGTTACCGAGAACGGAA  
CGCGGCGGTTGGTCCGATCGGCGTTCTTGCCGGTGGGGAAGGGTTTGGATATAGCGCACGTGGCGGCTGCC  
GGAGGTAACCTCGGGATCCGGCGGAGGGAAAGGAAAATGGATCAAGCATGTTGATCGACGGTCAGGCGAGG  
AGTTTGTAATTCGGAAGTGAACCCAAAACGATGTCGTTTTTTCTTTCTTTCTTTCTATTTTCCAACCTTTGTG  
AATACAGTTTTGTCATAATTTGTGTATAAAACATATCTTTTTGTGTTTTAGGGAATGGGTTGGGGGAATTAAT  
GTACTCATCACTGACAAATTTTATTGTATTATCATATCATTTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
CCCAAAAAATTTTACACCCCCCACCGGGGGGGGGGGGGCCCCCCCCCAACCCCCCAAAAAGGGGGAAAT  
TATCCCCCCCCCGGGGGGGGTTTTTAAAAACAGGCGGGGGGAAAAAACCTTGTTTACCCCAATTTAACCTG  
AAGGGAAAACCCCCCTTTTCCGGCGGGGGGAAAAAAAGGGCCGCGGCGATTCCCCCCCCCAAAA  
TGCTACCCTTGAAAGGGAAAAAGGGCCCCCCCCCTTCGCTCCCTTAAATCCCGGGGGGGGGGG



>trans\_c\_477 XM\_002876924|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata methyltransferase/ nucleic acid binding protein, mRNA

AGGTTTGC GCGCAACGACAGTACCAAAATCCCACTGTTGCTAGTCCACAGGTTCTTCGTCATAGCCATTGTCC  
TCTTCTTTCTCCGAATCAGTTCGTGAGTTTTTGAAGAAGTAATAGGAGCAAATATCAGAGTTGAGTAAATGTGG  
TATCTCTGTGTGTTCTATCACCGTCTTTTGGATTACCGGAAGACCGAGGTCGAGTCTCTGGCCGAGTTGTTGG  
TGAAAATGGCGACCACAAAGGGAAGAAGTTGGAGTGGAAGCTTCCTCTTCACCATCACCCCGATTCTCCTTTC  
CATTTGCTGACCTCTCTTCAGACGATATCGCTCGGAGCATTGCTAATCGAAGTATACTAGTGAAGGGGATGT  
ATGAACTCTGGGGTCAAGGAAGTGACTACGAGGAGCTAGAGGAGTCTATTAGAAATTTTCCGGAAGAACGG  
AAGTTCCCATACTTACAACCCGGAAGCTCTTTCAAGATTTCTGTAGAGAGCTTTGGGAAGGCTATCAGCTTCCA  
GGAACAAAATGAACGTATTCAGGGGCTAGCATAACATCCCTTTCAAGGGTCAAGTTAATTTAAAAAGTCCAGAT  
CATAAATTTTGTCTTTTGGAACTGCTGATTATGGACTTAATAATGGACTTCCACCAATTGCTCAAAGGAGAAT  
TTTTTTTGGCCGGGAGGTCGGTGGCGCCGATAGGAAGCTTATACCAACATATCAGTTAAAAAGTCGCACTTAT  
CTTGGGCCAACTGCCATGGATGCTGAAATGGCTTTCTTAATGGCCAACCAAGCATTAGCAACATCTGGAAAAC  
TTGTCTTTGATCCTTTTGGTGGCACTGGGAGCATTCTTGTTGGTGCAGCTCATTTTGGAGCAATGACAATGGGG  
GCAGACATTGACATTAGGGTGGTACGTGATGGTCGTGGCCCTGATTGTAATGTTTGGAGCAACTTCAAGCAGT  
ATGGCTTACCACCTCCAATTGCACTGTAAAGAGCAGATAATAATCTTCCTCCCTGGCGTCCAGGATTGTAGGAG  
ATTTTTGATGCAATCATTTGTGACCCTCCTTACGGAGTGCGTGCCGGAGGGCGTAAATCTGGTGGTCGGAAAT  
TATTTAAAGGAATCGTTGCTCCTTACACTGTTCCAGATGACAAGAGAACAGACCATATACCATCAACTGCATCT  
TACAGCCTTGTTGAGTGTGTACATGATTTACTTGACCTTGCTGCCAAGATGCTTGATGGGTGGCAGACTTGC  
ATTCTTCTACCCTATGTTGAGGGAAGAAGATTGTGTGTTTAACCAATTCCAGAGCATCCTTGCTTTACATTAAT  
CAGTTCGTCTGAGCAGATATTGAGCTCTCGATACAGCCGAGTTTTGCTAACTATGGTGAAAAGAAGTTCATAT  
ACTGAAGAAATTGCAGAGGCAGCAAGATTAAAACATGA

>trans\_c\_478 NM\_129091|Arabidopsis thaliana ribose-phosphate pyrophosphokinase 1 /  
phosphoribosyl diphosphate synthetase 1 (PRSI) (AT2G35390) mRNA, complete cds

TTGTTAATGGCGGACGACCATCGCCATACATAACTAATTAAGTTCGCCCTAGCTCCCTGTACCGGTGAACATGGC  
TGCCTCTCTCATTCTTCCTTCTCCTTCTCCTCTTACTCCTCCTCCTCCTCACCCGTTCAAATTTCTTCCCCCA  
CAACTCTCGCTCCACAACCTTGCAATTTGTTACACCTTCAAGTGTAGTCTGCCTGAATCGAGTAGATTGGTAATG  
GGAAACCTATTGTTCTATTCTTAATGAGCGTAGTTTGCCGGAGTTCTTGGAATCGGCTAGAATGGGGAAACC  
GCTTGATAGAAGCAATAACCGTTTGAAATTGTTTTCTGGTACTGCGAATCTTGCACTATCTCAGGAAGTTTCTA  
GGTATATGGGCTTGGAACCTTTCGAAGGTTAACATCAAGCGATTGCTGATGGAGAAATTTATGTCCAGTTGAA  
AGAGAGTGTGAGAGGATGTGATGTTTACATAATACAGCCCACTTGCCCTCCTGCCAATGAGAATCTCATGGAG  
CTATTTGTTATGATAGATGCATGTCGGAGAGCCTCCGCCAAAAACATCACTGCAGTGATCCCATATTTTGGGTA  
TGCCAGAGCTGACAGGAAGACTCAAGGCCGTGAATCAATTGCAGCCAACTTGTCGCTAATCTTATAACAGAA  
GCAGGTGCCAATCGTGTTCTTGCTTGTTGACCTCCATTCTGGACAGTCGATAGGCTACTTTGATATACCAGTTGA  
TCATGTATACTGTGAGCCTGTGATTCTAGATTATCTTGCCAGCAAGACAATTTGTTACAATGATCTGGTTGTGG  
TCTCTCCTGATGTTGGTGGTGTGCAAGAGCTCGTGCTTTTGCCAAAAAATTATCCGATGCTCCTTTAGCAATT  
GTGGACAAAAGGCGCCAAGCGCACAAATGTTGCCGAGGTGATGAACCTATTGGTGACGTTAAAGGAAAAGTT  
GCCGTCATGGTGGATGACATGATTGACACTGCTGGGACTATTTCAAAGGAGCGGCTCTTCTACATCAAGAGG  
GTGCTAGGGAAGTCTATGCTTGCTGCACTCATGCTGTATTTAGCCCCCGGCGATTGAGAGGCTATCAAGCGG  
CCTGTTTCAAGAGGTGATAGTTACGAATACGATCCAGCAATCACAGAAAACCTTCCCTCAGTTAACCGTTC  
TTTCGGTAGCAAATCTTTTGGGCGAAACATTTGGCGAGTTCATGACGATTGCTCTGTTATTACTCACCTGCAT  
TGAATTATTTATGATTTACTGTGTAATGAGCCATACAAAAATTGTAATATATTTTCAAGTTTTTCTCCTATCTATGT

CTTAACAATTTCTTCATATTCTCTCACAAATTTGTATCACATAGGGTAAATGCTATATTATTATGTACCCCTTCAG  
CTGGTTCAAACATATAACCATCAATAA

>trans\_c\_479 AF234536|Ipomoea batatas senescence-associated protein mRNA, complete cds

TGTGCTCTGTTTTGGTCCTTCAGACAGGTTTCATCCCTTTTACTCATTGACCCCATGGCATTAACTGCAATCAAG  
GTTTCAAGCAGCCCAGTTGTGACCAGTAAGGCAATTGTATCTAATTCTTATGGAGTTTTTCTTCTTTATCCAAG  
TCAGAACGTGAAAAATTAAATCCATCAAGCTGTAGAGTTGACATTGGGGAGCTCCATGGATGTCTCTTGACAG  
CAAAAGTCAAAGTCTCTAGTCGTGGGCAGCGTAACTCTTATGAAAAATCTTGAGAGTTTACCATGTCACGCAG  
ACCTGCTGTGTTATGTTTCTCAACTGGGACTGATCGTACAGAACTGAAGAATGTTTTAGGCCTTATGATAGTT  
CTGCAGGTTTAAGATGTGCCCAAAGTGGAGATGATGAAGATGACCAGCCAACTGTTTGTGAAAGAGCCATTA  
AATCCAACCCAGGAATAGTTGAAGCCTGTCGATTTGCATACAATGATGCAAAATTTGTAAATGAACGGGCTCG  
CAATGACATCGTATTGCTTCTCGCTCGAGCCAGAGAGGATACAGAGACAATTGACCGTAATGTGAAGAAAA  
AAGCTGAGCGACTGCGACGTATTGCTGCAACTTTGAGAGAAAAGGCTCGGTCTAGTCTGAAAAGTGCTGCAG  
ATGAGCATTGGAGTGCTGGAGCCTTAGAGGCCGATTTGCGCTTGCTGATTTCCGTGCTAAACAGCGGGCAA  
TGGAAGATGCCCTGATGGCTTTGGAGTTTGTCAAAAAATTCATGATATGATGGGTGAGAAAGATGTACAACT  
TTCCTCAGTCAAATCAATCTGGTTTTCCAATCCCAATGACATGATGGACCGTATAAAGCTAAAAAAAATGGG  
AAGAGTCTAGATTTCTTAACCAAGTGAAGTATCAACTGATCGCATTTCTGCTATTCAGGAAATCTATTGGAGTAT  
GGCCTCTGCCCTCTCTGAAGCTGATGGAATTGATTATACTGATCCAGAAGAGCTTGAGCTGTTGATTAGAAGTCT  
TTATGGATCTTGATGCAATGGATGGCAAAAGCAGTGTATCACTACTTGACAGATGTTCCGAGTTCTCCAAATGA  
AAATACTAGACAAGCACTGGCCAATGCTCTGGCAGCAGCCCCATCCATGTGGACTCTTGGAATGCAGGCATG  
GGAGCATTGCAGAGACTGGCAGAAGATAATAACCCAGCAATTGCTGCAGCAGCGTCCAATGCCATCAAGGAG  
CTGAAGAAACAGTGGGAAATAGGAGAAGGAGATAGCTGGAGCTTTACAGTGAATCAAAAAGCTACCATGGA  
AGGCAGTGAAGCTGACGATGATGAAGATAATGCAGATCCATTATGATACATCTTTAAGTAAAATCTTTACTGT  
AGATAAGCTAAATTTAAGTGCATGTTAGAATCATAGAAATTGA

>trans\_c\_480 NM\_001069674|Oryza sativa Japonica Group Os09g0407900 (Os09g0407900)  
mRNA, complete cds

CTGGACATCATGTGTATATCAACCTTCGGACAGAGAAAGTTTACTGCCTTCCCGATGGATATGAGATTAATGA  
CCCCTCGTTAGATGATATTCGATACGTCCTGAATCCAAGGTTTGCCAAAGAGCAGGTGGAGCAGCTTGACAAG  
AACAAGCAGTGGTCTAGGGCACTCGATGGTTCTGATTACCTTCTGGAATGGTGGGCCTTAACAACATTAAAG  
AAACTGATTTTGTAAATGTAACAATTCAGTCCTTAATGAGAGTTACACCACTCAGGAAGTCTTCTCTAATACCTG  
AGAACTATCAGCACTGCAGATCTCCACTTGTTACCCGTTTGGTGAGCTCACACGTAAGATTTGGCATGCAAG  
AACTTCAAAGGACAGGTAAGCCCGCATGAATTCCTGCAAGCCGTTATGAAGGCTAGTAAAAAACGTTTTCGA  
ATAGGAGCACAGTCGGATCCTGTTGAGTTTATGTCATGGTTTCTTAACACACTTCATTGAGAACTGCGAATTAC  
AAAGAAAAGTAGCAGTATAATCTACGAGTGTTCAGGGGGGAATTGGAGGTTGTGAAAGAGATTCACTCCAA  
AGCTCTCATTGAGAAGAAAGAAAATGGTGATGAGCAGGATGCTGGAAGTCAAGGTAGCAGTGTGGTAATGG  
AACTTCAAGAATGCCATTCTAATGCTTGGATTGGATCTACCGCCACCACCTCTTTCAAAGATGTTATGGAG  
AAAAACATAATACCACAGGTTCCACTCTTCAACATTTTGAAAAATTTGATGGTGAACTATCACAGAAGTTGT  
ACGGCCACATATAGCAAGGATGCGTTACCGGGTACTCGATTGCCTCAGTACTTAATTTCTCATATGCGCCGAT  
TTACGAAGAACAATTTTTGTGGAAAAGAATCCCACATTAGTGAAGTTTCTGTCAAGAATCTAGAATTGAAG  
GATTACATCCCCTTGCCAACACCTAAAGATAACGATAAATTGCGCTCAAAGTATGATTTGATTGCGAATGTTGT  
TCATGATGGCAAACCTAATGAAGGGTGCTACAGGGTATTTGTACAGAGGAAGTCCGAAGAATTATGGTACGA  
GATGCATGATCTTCATGTCTCTGAGACACTTCCTCAGATGGTTGCTCTCTCTGAGGCTTATATGCAAATATATG  
AACGACAACAATAGATAGGGCGTGAAGTACCGAATTAGTTTTGTTAATTTCTCTCTAGACAATATGTACCTG

GACTTGAACAGGACATGAGCATGAGAAGCTTTGAAATCCGCGTTATAAAGGAAGCTTCCTACTACTAATCTCT  
TTGTTTGATTTGTAGAATCATTTGTCACATTGCACATAGTTTGCAAACCTTGGACGGGGACTATGCTGCTGCGCA  
CTGCTTTCTGGTGGAATTTGTTGCCCAAACATTTTT

>trans\_c\_481 Novel Gene

ACTCTCCAAACAAAATCCTTTCAACCTTATTTTTCTTCACTACCCATTTCCAAAAATTTCAATTCCTCCTCGGAAC  
GTCTTCGTCGATGCCGAAACCTGCGGCTGGGAACCGATTGTTCTCGATCATGTCCAGTGCTGAACCTCCCAAT  
GGACTGCAGGGATCAAGGGTTAAGGGAGCCGAATCCTTTCTTAGGAATGTTTTGGCGAGCATGGAGGCTGTT  
TATCTGAGTCGGAATCCCACTGCAAAATCAATTTTGGAGCTTGTTGATCTGCTCATGATGATACAATTTGTTAT  
GATCATATTGCATTTAGAATTTTTGGGATGGACGGGCATGGGATTGACTCATTAGCAAGCTTTTTTCTGGATTT  
TGGATATACTCAAAAAGAGGAATTATCATTCCCAGCAAAAAAGTTGAAAGCATTTTGGTTTTCACCTCCCTCCA  
TTTCTAATGCTGCTTATGATGGTGATGGAGTCAATGGACCTCTGCCAAGAGTGTTTCATATCACAACCTTCTGGTG  
GATCAGATGAGTAAACAAACTCAGGACATAATCAGAAAATACACTAAATGTTCTTGCAATGGGAAGAAGCAT  
GCTGCTCTGGCAGGTGCTCTGGGTTCTTGACATGGGAAAAGCCTTCGCATTCAGAGTTTGAACAATTAACAA  
GGGAGAGCGAATATGCTGCGTGGACTCTTGTGAATGGTTATGCACTTAATCATGTGACTATTTGACCCATCG  
CCTAAAATCTCATCTGAAAGATATCAAAAGCCTCAATCTGTTTCATTGAAGAGAATGGTTATAAACTAAATTCTG  
AAGGTAGTGTTTTAAAAGTAAGCCCGGATGGTCTTCTCCTGCAAAGTTCAACCCTTGCAAGATTCAATTTCTTTT  
GAATTTTCTGATGGCATTACTGCTTCCGTCCCCTGTTTCATACATCGAGTTTGCTGAACGTTTGGTACTGCCTCAG  
TATAAGCATCTTCCAGAAACAGAGGTAAAGGAGTATCACAGAAGGGATGGCTTTGAAGTAGGAAATGCTGAT  
AAGATCTTTGAAAGTACATCCAAACAGCAGCAAATGGCAAACGCTTGAAACCAAATTGCTACAAAAGGGAAG  
GGCATGAGGGCAATGTGGAAGTAGGAATTCAACACCCTTTAAATAATTCCCAATTTGAATTATTGGTGCAAA  
TCTTAGACTGTCAATTCTATCTATACTTTGATATATGTATATATAGCTGAAACACTTATTAATATGATATCGAAT  
AATCTAACCTTCTCCCTAGCATGTGCACCGAAGTCGTGCGTCGTTTTTTGTACAAGTGGCATCATCAATTAGTC  
GTTGATGTGTCAAATTTGAAAATATATGCAATGAATTACTATTGAGGAAGAAATGTTCAAAAGAGAAAAGCAC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_482 L36856|Pisum sativum GTP-binding protein (IAP34) mRNA, complete cds

TCCGACCCACGCCCCGCGCACCCCTCTCCGTCGCAGTCGCCCCGCCGGCACGCTCCCTCGCCGTAATTCTTTTCATTT  
TTTTCACTTACTTTCCGCTACAGCCTCGCCGGCACACGCGACTACCGCATTCTTCTGTTCTTCGACCGAGGCACG  
CACAACCTTCATGGCATCTCAGGTTATCCGTGAGTGGGTTGGAATAAACAACCTTGCAATGGCTACACAAGCAA  
AATTACTTGAGTTGATGGGAAAACCTGAAGCAGGAGAACGTCAACACATTGACAATACTTGTAAATGGGAAAGG  
GTGGCGTTGGAAAGTCATCCACTGTGAATTCCATTATTGGTGAAAGAGTTGTATCTGTTAGTCCTTTTCAGTCA  
GAAGTGCCAAGGCCAGTGATGGTTTCTCGCTCACGGGCTGGATTTACATTAAACATCATCGATACACCTGGCA  
TCATAGAAGGAGGTTATATCAATGACCAGGCACTTGAGATCATAAAACGCTTTCTCTTGAACAAGACCATAGA  
TATTCTTCTCTATGTGGACCGCTTGGATGCATATAGAGTAGATAAATTAGAAAAGCAAGTTATCAAGGCAATA  
ACTGACAGCTTCGGTCAAGCAATATGGAGTAGGGCTTTGATTGTTCTCACTCATGCTCAATTTTCCCCGCCAGA  
TGGATTACCATATGATGAATTTGTTTCCAGAAGATCAGAAGCTCTAGTGAAAACAGTCCGATTTGGTGCTCTT  
TCAGAAAAGTTGAAATTCAGGGGTTGAATATTCCAGTTGTTTTGGTCGAGAACAGTGGACGGTGCAGCAAGA  
ATGAGAAAAGATGAAAAGGTTCTTCCAAATGGGATTGGATTCTCACTTGGTTGAGACAATCACCACAGTTGTC  
TTGAAGGGAAGCAAGTCCATTTTTGTTGATAAGACGTTAATCGAAGGGCCAAACCCCAATCAGAGGGGGAAAG  
TTGCTGATTCCCTTAATCTTTGCACTCCAATATTTCTTCGTCGTTAAACCTATCAAGCGAGCAATAAGAAGGGAT  
ATAGCAAGACAAATTAGACCGTCGTGGGAGTTGCGTGATATGAGCTTTTCCACCCGCAAGTATTGATTGATC  
TCAAGTTTGGCGAGTTAATAATCTATGCGTCTTATGTTTCGTATAGAGATTAGTCGTTGTTTTGTTTTTGT  
TTTTTTTTTTTTTTTTGTAGAAGTTGGAATTTTGAATAACTGAGTTTCTGTAAGCAAATTCGTATACACTGCCA

CCCTCAGTTCTTTCGGCTACTTATCATTAGTTAGAGGATTATGTTTGTTTCCTTTAATTTTCGGCCTTTTCCAATT  
CCCATCACTCTTCTTCCCAATCAAACCTTCGTATGCAGATGTTAATAATATCGATCATCATAACAAAAAAGAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_483 EU016365|Vitis vinifera neutral invertase (NIN1) mRNA, complete cds

ACAAATATCCAACCTTTATGCATGTCATAGTGTTTTAACTTTGTTACTGTGTTTGTACTTCCAGGGTTGTGGTGG  
ATTATTTTGTTAAGAGCTTATGGAAAGATCACAGGAGATTACACATTGCAGGAACGAGTTGACGTACAGACAG  
GCATAAGACTGATCCTTAATCTTTGCTTGACGAATGGGTTTGACATGTTTCCTACCCTGTTGGTCAGTGATGGT  
TCCTGCATGATTGATAGACGAATGGGCATTCATGGACACCCACTAGAAAATTCAAGCATTGTTCTATTCTGCCTT  
ACGCTGCTCCAGAGAGATGCTGATTGTTAATGATTCAACCAAGAATTTGGTGGTTGAACTCAACAATAGACTT  
AGTGCACTCTCCTTCCATATCCGAGAATATTACTGGGTCGATAAGAACAAAATCAACGAAATTTATCGTTACAA  
AACAGAGGAATATTCTACTGATGCTGTAAATAAGTTCAATATATATCCTGAACAAATTCCTAGTTGGCTGGTTG  
ACTGGATTCTTGAGGAGGGCGGTTATTTTATTGGCAATCTACAGCCTGCGCACATGGACTTCAGGTTTTTTACG  
CTCGGGAATCTTTGGTCTGTTGTGCATCACTGGGACTCCAAAACAAAATGAGGGCATTCTGAACTTGATCG  
AAGCCAAATGGGATGATCTTGTGGCTAACATGCCTCTCAAGATATGCTTCCCAGCCATGGAGTACGAGGAATG  
GCGCATAATAACTGGCAGTGACCCTAAGAACTCCTTGGTCGTATCATAATGGAGGTTCTTGGCCAACACTC  
TTGTGGCAGTTCACACTGGCTTGCATCAAGATGGGGAGGCCAGAGCTTGCAAGGAATGCCATTGCAGTCACT  
GAGAAAAAGCTTTCAGATGATCGTTGGCCCGAGTACTACGATATGCGCAGAGCAAGATTAATTGGGAAGCA  
ATCACGACTCTTCCAAACATGGACCATCGCCGGTTTCTTGACATCCAAGTTGCTTTTGGAGAATCCAGACAAGG  
CGTCTCTGTTGTTCTGGGAGGAGGATTACGAGATTCTTCAGAACTGCGTTTGTGCACTCGGCAAAGGCAATGG  
AAACAAGTGCTCTCGCCATCGCCAGCATCCGAAACCAAGTAATCCTAACCATTAAACCAATATATGTTTCTTGC  
TTCTAACGAATGATTCTTTGGAGGGGCTTTTTTTTCTTCTTCTCTGATTCTGTGTGTATAGAAAAATACAATT  
CTTGAGGCTCAAAGTTTTTTGAAGAGTCTCTAATATTCCTTGTGGGAATTAATAATGTATGATTATTACCACTTC  
ATTTATATGTAATCCAAAACGTAGTTTTAATCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
ACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_484 NM\_119689|Arabidopsis thaliana BSK1 (BR-SIGNALING KINASE 1); ATP binding /  
binding / kinase/ protein kinase/ protein tyrosine kinase (BSK1) mRNA, complete cds

ATTGTACCACGACTTGAATGCGTACAGAGTTCTGTTTGACGAGAATGGTGACCCTAGACTTCTTGTTTTGGAT  
TGATGAAAAACAGCAGGGATGGAAAAAGTTATAGCACCAATCTTGCGTATACTCCACCTGAATATTTAAGAAA  
TGGAAGAGTGACTGCAGAAAGTGTTATCTTTAGCTTTGGAAGTGCCTTTTAGATCTACTGAGTGGCAAGCAC  
ATCCCTCCTAGTCATGCACTTGATATGATTCGAGGCAAAAACATTCTTCTCTTAATGGATTACATTTGGAGGG  
TAACTTTTCAACTGGGGAGGCAACTGTGGTTTTTGATCTTGATCAGATGCTTACAATATGAACCTCGAGATC  
GACCAAATACTAAGGACCTGGTTGCAACCCTTGCCCTTTACAGAATAAACCTGACGTGGCATCTTATGTGATG  
CTAGGAATTCCAAAGCATGAGGAAGCACCTCCGACTCCACAACATCCACTCACTCCAATGGGTGATGCTTGTG  
CAAGGATGGATCTCACTGCAATTCATCAGATTTTGGTAATGACACACTACAAAGACGATGAAGGAACAAATGA  
GCTGTCTTTCCAAGAATGGACTCAACAAATGAGAGACATGTTAGAGGCAAGGAAGCGTGGTGACTTGGCATT  
TCGTGACAAAGATTTTAAAACAGCAATTGACTGTTATTCTCAGTTCATAGATGTTGGCACCATGGTTTCTCCA  
CTGTTTATGCACGAAGGAGTTTGTGTTATCTTCTTTGCGACCAACCGGATGCTGCTCTTCGAGATGCAATGCAA  
GCCCAATGTGTTTATCCCGATTGGTCTACATCTTTTTACATGCAGGCCGTTGCGCTTGCCAAGCTAGATATGGA  
CAAGGACGCGGCTGACATGCTGAACGAGGCTGCTGCTTTGGAAGAGAAACGACAAAAAGGTGGACGGGGAT  
CTTGAGAATCGACCACAGTAAGTTTGCTCTTCTGTGTTGTTTCTTATCCGCAGTCTGCTATTGTTGATAGTTTT  
GAAACAGGAACCTAATGTGAAGTTGCATTTAAATGGAAAGTCACCAACTCTGGTCATGAAATCAAATTGTAA  
CATAGAGAGGAACTTTGTATCTTCTCAATAATTGTGTTATTTTTCTTCTTTAAAATTGGGGAAATATTTTCTT

GGTTCTGTTTATGTATAAGCTTAATACAACATATTTAGATTCTTGAGTGTGCATAATTGTACCACGAAGAAAAT  
CAGCTTTTATTATCATTTCATGATACTGGATGAAGAGCAGGGCAACTTTATTCCAAGTTCAATAGGAAAAATATTC  
ATTTTGAIAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_485 NM\_001186412|Oryza sativa Japonica Group Os03g0241400 (Os03g0241400)  
mRNA, complete cds

TAAGAGGCAAATTAGGTTTTTCAATTTTCCGCCTCGACGAAAAATCCTTCATTTGTTCCGCGCTAGGGTTTCCAT  
CGCTAACACGTTTCTTCTGTTTTCTCAAATCTCGATCTCTTCTTCTTCTTCTTTTTTCTTCAAATCTCCGCCGCG  
AATCCCTTTCCATAGTAGACACACGATGTCTCGTTGCTTTCCTTACCCACCTCCTGGTTACGTGAGGAAGGTGG  
CTAGCACCGAGGCGGCCTTGATCGAATCGATTAACTCCAATCTGAAAGACAGAGCAAGAACGATAGAAAGA  
ATGAGAAACGTAGGCACAAGAAAGAGAAGTCGAAGGACAAGAAAGAGAGAAGTAAGGACAAGAAACACAA  
AAGCAAAGAACGTAAAGAACATAAGGAAAAGTCCTCTCATAGCCGGAGCTTGAATGATCAGAAACACAACAA  
ATGCCTTAAAGAAGTCAAGGACCTTCTAGATGGAACCAAAGTTGAAGCAGAACAATTAGAAAGGAGTGGTCT  
CACTGAAGAGCATGGACAACCTGTATGGCCTCAAAGCCCTGCCTACTTGTCTGATGGAACCTCAGATTGACCAC  
AAGAGAAAAAGGCAAGCTGAAACACAGCCTGATGAAGGTTGTAAGCCTGGTAAAATCATCCGAATCAAACCTG  
GCTTCGGCCCCCTTCACTTAGCCAGCAAGAGGATTACGCGGCTGGCAGCGAACAGATGTGTTCCACATCTGGTC  
GTTATAATTCTTTGATCAAAAGACAGATGGAGACAGTCATGGATCAGTAGCCAATGCTGAAACAGCTGTCGC  
TGTTTCATCCCACTTTGTCCAACCAAAGATCGAACATCCCCCTTGCATCCCATCGGGGACCGTAATTCTAAAA  
GTACAGTTGTGTCAGTACCTTCTCGCAAAAGAAGTTTCAGCTGAATCTGCTTATGAGGCATTGTTTCGAGAAGTG  
GGTAGCACCACCACTTCTGTTGGAGCAACAACTGATGATGAGGAATGGCTCTTCGGAACCACAAGAAAGCA  
AGATGGACGAAGTACCATGGCCAACAACAACATGCTTTCAGTACTGTTTCCAGCTGTGGTAGGAGTTCAAAT  
CTGTGGCCGAGAGGACAATATCTCGTCGATGCTGATGTTTATTCATTGCCTTATACGATCCCATTTTGATTTG  
GATTCTTACTTTGCAGAGTAATATGTACAGTACGCCAGTGGGAATAATAGTCTTCCTAGGTGTTATAATTGGTT  
TTAGAATCAAATATAATTGAGATTCAATTTTGTCTCTGGTGGGTACTTGTTATGCCCTTAAGATGGATTGACT  
ATTGAACAAACGACGAACATGTTGGAGAGTTTATGTAAATATGGAGTGCTAAGAGAGATGTTTATGACAAAA  
TATAGTAGCTTTTTCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_486 NM\_100940|Arabidopsis thaliana polygalacturonase (AT1G10640) mRNA, complete  
cds

TGTAAGGTTGAGGGATCGACGGTCATGGTTCCGGCAGAGTATGTGTTCTTCGTAGGACCCATTTCTTCTCTG  
GCCCATTATGCCAGCCAGACATCGTATTTTCAGCTGGATGGAACAATTATCGCACCCACTGACCATCAAACCTGG  
GGGAAAGGACTCTTACAATGGATCCAATTTACAAAGCTGGTAGGGATTACCATACGAGGAAATGGCATAATT  
GACGGAAGAGGATCCGTTTGGTGGCAAGATTCTTCTTTGATGAGCCCATAGACGATGAGATGAACTCATT  
TACCCGTAAACAATACCAGAGATGAAACAAAACCAACGCCGATAGGAAGCAATCTAGAAGGGAAAAATGCCAA  
GTATCAAGCCAACTGCACTTAGGTTTTATGGAAGCTTCAATGCCACGGTCACGGGAATAACAATCCAAAACAG  
TCCCAATGCCACCTCAAGTTTGACAACCTGTGTAGGAGTCTGGTTCACGATATCAGCGTCTCATCTCTGGAG  
ACAGTCTCAATACTGATGGAATTCATTGCAAAATTCCAAAGACGTTCTAATCCATAGCACCAGTCTATCTTGT  
GGAGATGACTGTGTTTTCATTCAAACCGGATGTTCAAACGTATACATACACAATGTGAACTGTGGGCCAGGAC  
ATGGAATCAGCATTGGAAGTCTAGGAAAGGATCATACCAAAGCCTGTGTTTCAAATATAACAGTTTCGAGATGT  
CACAATGCATGACACGATGAACGGCGTTAGAATCAAACATGGCAGGGTGGATTGGCTCTGTTTCAGAACGT  
TCTCTTCTCGAACATCCAAATGTCTGAAGTTCAAATACCAATTGTAATTGACCAATTTTATTGTGATAAAGCCAA  
ATGCAGCAATTAGACTTCAGCAGTGGCTCTATCAGGAATCAATTATGAAAGAATCAGAGGAACTTACACAGTC  
AAGCCTGTACACTTCGCTGTAGCGACAACCTACCATGTACAGATGTAACACTGACTACCATAGAGCTAAAAC

CACTGCAAGAGCGCTATCACTTATACGATCCTTTCTGCTGGCAAACCTTTGGAGAATTGAGAACTCCTACTTCA  
CCTCCAATCGGATGCTTACAGATTGGCAAGCCATCTAGCAACAGAGTTCAGTATGAAGAAAACGATTCTGT  
AAGTTCTAGAGTATAATAATAGATTCTTAGTAGTGTTCACGTGTGTGGTCGGCATTGTGACCCCTTTCTATACT  
TCTAGATGGTTAGATAAAGCATATATTCTGGGAAGATCTAGCTCACAGGAATCTTCCATATAGGGTTAAATAT  
ATCTGAATAATATAGTATATAGGAGTCGATGTTTAACTCGAACTTTATAGTTAGTAATTAAGCAGACGTT  
TGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_487 HM768296|Ananas comosus glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase mRNA,  
complete cds

ACTCATTCTATTCACTCACCTAACTTTCTCCCCATCTCTTCTCTTCATCCCTTTGTTCTCCTTCTCTTCTCACA  
ATCATGGGCAAAGTTAAGATCGGGATCAATGGATTGGAAGGATCGGTGCGCTTGTGCTAGAGTCGCTTGC  
AGAGCGAGGATATCGAACTCGTTGCTGTTAATCATCCCTTATCACCCTGATTACATGACCTACATGTTCAAG  
TATGATAGTGTACACGGTCAGTGAAGCACCACGATATCAAGGTGAAAGATAGCAAGACTCTTCTCTTTGGG  
GAGAAATCAGTCACCGTTTTCGGTACTAGGAATCCGGAGGAGATCCCATGGGGGGAGGTTGGAGCTGACTAT  
GTTGTTGAATCCACTGGAGTATTCACTGACAAGGACAAAGCTGCTGCTCATTGAAGGGTGGTGCAAAGAAG  
GTTATCATCTCTGCACCAAGCAAGGATGCCCGATGTTGTTGTTGGTGTTAATGAGAAGGAGTACAAGTCAG  
ATCTCAACATTGTGTCCAATGCCAGTTGCACTACCAACTGTCTTGTCCCTTGGCCAAGGTTATCAATGATAGA  
TTTGAATTGTTGAGGGTCTCATGACGACTGTCCACTCAATCACTGCAACCCAGAAGACTGTTGATGGACCAT  
CAATGAAGGACTGGAGAGGTGGAAGAGCCGCTTCCTTCAACATCATTCCCAGCAGCACTGGTGCTGCCAAGG  
CTGTAGGTAAAGTGTTGCCTGCTCTAAACGGAAAGTTGACAGGAATGTCATTCCGTGTTCCACGGTCGATGT  
CTCCGTTGTTGACCTTACCGTCAGGCTTGAAAAGAAGGCCACTTATGAAGATATTAAGGCTGCCATCAAGGAA  
GAATCAGAAGGCAAGCTGAAGGGAATTCTTGGGTACACCGAAGACGATGTTGTGTCAACCGACTTTGTTGGT  
GACTGCAGGTCAAGCATTTTTGATGCGAAGGCTGGCATTGCTTTGAACGACAACCTTCGTGAAGATCGTCTCTT  
GGTACGACAACGAGTGGGGATACAGTTCACGTGTGATCGACCTGATCCGTCACATTAACCTCTGTTCAAGTAAAC  
GTTGTCTAAGAGTTCGTTCTAAAGGGAGGGGGAAGGCTTTGGATTTGTGGAGTTGCTCAATTATTAGGTCCA  
GTCATTAAGAGCAGGGAGCTTTTATGTTAGCGTTGAGTTGAATAATTGGAGGATCATTATTAGGTTTTTGA  
TGAATTTTTTGTGGAACACTTTGTAATTTGTACCCTCCATTTTCTTTTTTTCAGGGAATAATTTTGAAACCTGT  
TTTTTCAATTTCAAATTATAATTTGGCACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAA  
AAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_488 AY391749|Nicotiana tabacum CMV 1a interacting protein 1 mRNA, complete cds

ACGATACTGTAGGGGAAGTGAGAGTGTTGCATTCAATTAATTAGCTTCTTCAATGGCATTGTGCGGAGCGAGC  
CAGCAGCTGGCTTTAATATCCGGCGGCAACGGGCAACAGAGAGGAGGAAGAATAAGTAGAAGCAACAGGG  
GTCTGATAAAAGTTCAGGCATCGACGAGCTCTGAAGTTGGGGTGTATGAAGAGGGCCGATTGGAGCGGCCC  
AATTGGTCTGGACAGACCCCTTTGTCTCGCTTGTGCGTGCTCTCATTTCTTCAAACCCCTCTATTCAATTCTCA  
AGCTCGGTGCCAGACAAGTTTTGATCAGTACAGCGGAGAAAAAGAACATTTTCATGGCGAAAACCTCACTCCG  
ATATTTGGAGTCCGACGTTTATAAGGAGCTCGACAGTGTTCAAATCCCTCCATTGTCTATCCTGATTATTACC  
TAAAGCCTTTCCATGCATATGACGAGGGTAATCTCTCATGGCTTGTGTCAGCAGAAGTACAGCCTGCAACCAT  
GTCGATGATTATGCGAGCTGTACCAACTGCTTCTCAGTAGATGAAGCAAAGGAAATAGTATTTGGAAATTGG  
CTTCGTAGGATTGAAGAGCATCATCTGAAGTATTAGGAAACCTATTCTAGACATTCTTGACATTGGTTGTTT  
TGAGGTTTTGGTACAAGGCAACTGGCTGATAAGTTTCCAACAGCTAAAGTAACAGGACTTGATTTGTCTCCTT  
ACTTCCTTGCTGTGGCTCAATACATGGACAAGAAAAAACTCCAAGAAAGAATGCAATAAGATGGTTGCATGG  
AAATGGAGAAGACACGGGCTTGCCTTCGAGATCTTTGACTTACTTTCCATTTCTTATGTGCTCCATGAATGTC  
CCCACGTAGCGATAGTGAAATCATCAGGGAATCGTTTCGGCTTCTTCGACCCGGTGGCACGATTGTAATCAC

TGACCAAGCGTCCAAATCAAAGGTTGTTCAAGGAATTGTCCCCTGTACTTTTCACCTTATTA AAAAGCACAGAAC  
CTCATTTAGATGAGTATCACCTTACTGATTTGGAAGAAAAAATGAGAGAAATTGGGTTTGTGAATGTGACATC  
AAGACTTACTGACCCAAGACATGTTACTATAACAGCAACAGTTCCACTTTGACGATGAGTATGAAATACTTGAT  
TGATTTATTAACAATAATAATTCACAAAATTTTGATAATACAAGTTTGAATTGAATTCCTTGTGTTTGTATTTTA  
GTATTGGCTTCGGTCTTGGTTTGACTTTTTATCAAAGCTTCATTTTTTCGGTTTTATTAATATTTAAGTTAAATCT  
AACTGTATAAGCCGTAAAAGCTAATATTTGGTTTGATTCAAGGGGAAATTGTTTTAAATATTTTAGATTTTGTCC  
TTCCAAAAA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_489 NM\_001048970|Oryza sativa Japonica Group Os01g0221900 (Os01g0221900)  
mRNA, partial cds

AGATTATCCTAATCAACTTCAGGAAGGAGATTCTTCCATTTCTTCAGAAGGGAGTACCTTCATCAGTTGATTGC  
TCAGATGATTGTTCTGATCTTCTTCTGTTAGTGAGAACATGGCCATTGCAGCACATAATGAAGATGCCAATCA  
TGCTCTGGTTGGCCACACCTATTTAGTTAAAGGAATATTGCAAATGGGCTCTCCTTTCTTGCTTACACTTACGC  
TGGAGAGCTTCCGAGCGGCGCTTTTGGTTTTAATGATCATGGACTGGCATTACCTTGAATTCAGTGCCTCCAA  
CCAATGATGAGATTGCTGCCGGGGCCATTGGACGAACTTTATCTCCCGGGACCTCCTTGAGTCTACAAGTCTT  
GAAAATGCAATATTTAGAATTCGCTCGGCCGAAGTATCTGTTGGGCACAGTTATAATCTGATTGATGTCCAGA  
CAAGAAGAATTGTGAACGTAGAAACAGCATCAAGGTATAGATTTTCAGTTAACGAGGTTGGGGCTACACCAT  
TATTCCATGCAAATATGTATACACATCTTCAGATTAACCAGGTACAAGATCCAACTCCATAAGCAGGCAGAAA  
CGAGCAGATGACCTGCCAAAAGAATCAAAAAATGATTTCTGTCTGGTTCTAGGAGATATGGATAACAAGAAA  
TATCCTATCTATATGACAGGCCCTATGCTTTACACACTGTGTACTGCCCTAATTGACCTGGACGAACAACTCTA  
TCAATTATTCAAGGAAATCCAAAGAAAAATGTGATATCCCATGTCTTCTCCATGCCTTTGGTGGAGTTAAAGAA  
ACCATAAGCACACTGCTGCCACCGTATGTTGCAAGTAGTCATGAAAGTTGATTCCGAGCTCTTATGCTGGTTCA  
TAAAGGCCCAACATATGGCCATCAATACATCGCATGGACGCAACCTTTCCGTGTATTTCACTTAATGGAACC  
ATCTAGTTCAGCTCCCATTTGCCATTAATTTGGTCACTGTGCTGTTAATATTTGGATTGCATGAGAGCCAACCTG  
AGAGGCCCAGATTGAAGCTCCGCCAACGGAGAGTGACAGACATTAAACAGTGAAGTCCAAGCCTTCAGAGTAG  
AATCTTGCCGCTTTAGGGACGTCTTGTTGAATTGAAGTATCCACCTAAATGAAGCTGCTGCCATCTCTCTCTTC  
CAAGGTTTCACTGAGAATCTGAAGATCTTGAAGTTACGAGGAAGCTTGAGAAAGCTTGAGGAAGCTGTAAT  
CGAAGGCCGATATAGTTAGGTAAACACAGAAAAGGCCGAAAAGGAAGGCAAAAACAATAGGTAAACACACC  
CAACTCCCAGAACTCAAGTGATGAAGACGATGGAGTGGCGAAGTGATGAAGACGAAGAAATGATGCCGAG  
TCTGCAGACGAAGAGGTGAAGAAGAGTCAAGA

>trans\_c\_490 EF044310|Triadica sebifera omega-3 fatty acid desaturase mRNA, complete cds

AAAATACCAAATCGGAAAAAAGGCCATTTCCCATTTCTCCAATTCTCTCTCGAAAGGGAAATATGGCCATTC  
CTCTGCCGGCTAACGGCAACGGCAACGGCAACGCCACTGCCGCCGCTCCTGTCCCTTTGACCCCTC  
CGCCCTCCTCCTTTCCGTATAGCCGAGATCCGTGCTGCCATTCCTCCCCATTGCTGGGTCAAGAACCTTGGC  
GCTCTCTCGTTTACGTTCTTCGAGATTTAGCCGTCGTCTCCGCATTGGTCGCCGCCGCCGCTCTTCTTCGATTCT  
GGCTCTTTTGGCCATCTATTGGCTTGCTCAGGGCACCATGTTTTGGGCCATTTTCGTCTCGGTGATGACTGT  
GGCCATGGCAGCTTCTCCAACAGTTCTGCGCTTAATTCCTTCATGGGTCTTCTTCTTCATTCTTCATTTTGGTTC  
CTTATCATGGATGGAGAATAAGCCACAGAACTCATCATCAAAACCATGGAAATGTGGAGAAAGACGAATCCT  
GGGTTCCATTGACAAAGAAGACTTATAAACAACCTGGAGAGAAGAACAAGAATCCTCAGATTCACTTTACCTTT  
CCCCATTCTCGCATACCATTTTACCTTATGTGGAGAAGCCCAGGGAAAGAAGGATCTCATTTCAATCCATACA  
GTGATTTATTTGCTCCAAGTGAAAGAAAAGACATTGTGATTTCAACTTCATGTTGGACATTAATGGCGGTTCTT  
TAGTTTATTTATCCTTCGTTTTTGGTCCATTCCAAATCTTCAAACCTCTACGGCGTTCCTTACTGGATATTTGTAA  
TGTGGCTGGACGTTGTGACATATTTGCACCACCATGGGTATGAACAGAAGCTGCCATGGTACAGGGGAGAGG

>trans\_c\_491 AY103807|Zea mays PCO130571 mRNA sequence

>trans c 492 AB453310|Glycine max GmATG8d mRNA, complete cds

[illegible]



CCCCAAAAAATTAAAAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCGGAACCCAATTCCCCAAAAAAGAAACA  
AAAAAACCCCCCCCACGGGCCCCCTTTAAAAACCCCGGAACGGGAAAAACCCCGGGGTACCCAAATAAATC  
CCCTTGAAAAAAACCCCCCTTCCCCAGCGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCAATCCCCCTTCCCAAAA  
ATTGCCACCCGAAAGGGAAAAAGGAACCCCCCTGAAACGGCCCATAAACCCGGCGGGGGGGGGGGGTAA  
CCCCAACGGGACCCCAAACTTGCCAGCCCCCAACCCCCCTCCTTCTTTTTTCCCTTCTTCCCCCAA  
ATTGCGCGGTTTTCCCGTAAACTAAAAACGGGGGGCCCCCTTAAGGTTCCAAATTAGTGTTTTACGGCACC  
CCAACCCCAAAAAAATTGAAAAGGGGGATGGTTCACGTAGGGGGCCAACCCCAAAAAAACGGTTTTTCCCC  
CTTTAACGTGAAGCCCCCGTTTTTTAAAAAG

>trans\_c\_493 NM\_118881|Arabidopsis thaliana CBS domain-containing protein (AT4G27460)  
mRNA, complete cds

GTATCGGAAATTCCGCTCCACCCGACCCCATTTCTGCTCTTTCTCTCTTCCTCACCCCATTTTTCTCTTCCATTT  
TCCAATCTCAATTGCTCTTGATGGCAGCAACTTTGTTGGGCTGCGAGGTATCTGACCTATGCCTTGCAAAACC  
TGCGCTTCGATCCATATCCATCTCCGCCACTGTCGCCGATGCCTTATCGATCTTGACGAAGATTGACGAAGGCT  
ACATAAGCGTCTGGAGCTGTGGAGATCATTCCTCCTCTAAGGCGGATTTCGGATTTACATTGTCGCTGCGTCGG  
TAAAGTATGCATGGTGGATATAATCTGTTTTCTTTGTAGACAAGAAAATTTGTTGCAACCGGCGATTGGGCTTC  
AATCTCCGATCTCTGTTTTGATTCTGAGGGATTTGAACTCGTTAAGCATTTGGAACCTCATGCCAGTTTGATG  
GAGGTGATTGACCTCATACACGATGGAATACATAACCTTGTTATCCCAATAAAAAATGAGCACAAGTCAGAGGA  
AAAACATCCTCAAGAAATCACCGGCTAATTCCATCTCCTCTCTCCATAACGATCAAGAATATTGCTGGCTAGCT  
CCGGAGGATATAATCCGTTACCTCCTCAACTCAATCGGACTTTTCAGCTCTACCGCCGCGAATCCTATCAATTCC  
TTGAACATAATTGATACCAACAACATTCTTGCCGTCCGTTACGACGAATCTGCGTTGTCTATTCTTCTCTAATC  
TCGCAAGCGCTGATTCACCAATCCTCTGTCGCCATTGTTGACTTAGACGACAAATTAATCGGCGAAATTTGCC  
GTTAACGCTCAATTTCTGCGACGAAACGGTGGTGGCGGCTATAGCAACGCTCACAGCCGGTGAATTCATGGCT  
TATATAGACTGTGGTGGTCTCCGGATGATTTAGTGCAATTAGTAAAGGAAAGATTAGAAGAGAAAAACTTA  
GAGGCGGTTCTGGAGTGGGTGGAGGAAGAATCATTAACAATCTCATCTTCATCTTCTTCAATCTGTTCTTCTTC  
AGATGATGAGTTTGGATGTGGATCGAGTAGTACTGGATCAGGGAGAAGTGGAAGGATTTGTGGGTATTGAG  
CGAGAGTAATGAGGAGATCTGAGGCGATTGTTGTTATCCATGGAATCTTTGGTTGCAGTGATGATTCAAGC  
TTTAGCTCATCGAGTTAGCTATGTGTGGGTGATTCAAACGACGGAACCTCTCGCCGGAACAGTCACCTTCGCTT  
CATTGTTGGCCGTTTTCCGGGATAGATTAAAATCTCTATAGTATAACGTTTCCACAAAATTTCAAAGCTTATGG  
AGTAATCTAGATCATCCAAAACCCAAAATGGTTTTGGCTTTTGACAAAAAACAACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_494 EU373052|Gossypium hirsutum gland development related protein 62-like mRNA,  
partial sequence

ATCCAAGAATGAAAGCATTCAACCATAGATTTCCACTGTCTGGCCCTCGAATAATCGACCCTTTCAGAACTGTA  
AAGCAGACCAAGCTTGATAGTCACTTTGTAGCTGATGTTAATGTATTTGATGGCACTATGATGCTTCCACGTAC  
TCCATTTACCAAGATATGGCGACTGCTTAATACTCGGACTTCGAATTGGCCCCGTGGTTCACAGCTAGTGTTGA  
CTGGAGGACACAAGTTCAGCCATTCATTATCTGTTGAAATCGAGGTTCTCTGAGGACGGACTTCCTCCGGGTCA  
GGAAATTGAAATTGCAGTTGACTTTACTACCCCTTCATTTTGTGGTCAATACACCTCGTACTGGAGTATGGCAT  
CTCCATCTGGCCACAAATTTGGGCAGCATCTTTGGGTTCTTATTGAGGTTGATGAAGCATTGAGATGCCAAAT  
TCCAATTTTCCCAAGCTTTGGACTTAAATTTACCCCCATACCCATAAATCCTTCCCAAGAAGGTGTAGAAAAG  
AATTCGACTCCTGCAGTTTCTGAAGGTGACTTTTCCCTCGTGATTCCATCCCATCGTTGAACAAGTAAACCT  
GATCATAATCTGTCTGTAAGTCACCCGATTTACAATTCCTCGTAGATGAGGGTATTCTAGTTGTTCAAAGCCC  
TGCCGCTACTTCTTAAGGAGGATAATTTGGGCTTGCTTGCTCTGCTGTCGACCGTCAGGGAGTTGTACCTT

GTTCAACCACTGTTCCCCCTGAGTCGTGCCCTTTTATTGATTTTCCTGCACCAACTCCTCCTGCAAACCCATCTCC  
AAAACCATCCCCCAAGGTTTCTCCCGCATCATCTGAACATGTCATTGCCAATAATGCCAATAATGCCAATAAC  
TTGGTCGAGGAACTCTTCTTAAACACTCGAGGATATGGGATTCAAACAGGTTGATCTAAACAAGGAAGTAC  
TGAAGAGGAACGAGTACGATCTAGGAAAGTCAGTGGATGAACTCTGCGGAGTTGCTGAATGGGATCCGATCC  
TCGATGAGTTGGAGGAAATGGGATTCAACGACAAGGAAAGGAACAAAAGACTTCTGATGAAGAACAATGGC  
AGCATGAAGCAAGTAGTGATGGAACCTCTTACGGGGAGAAGGCTTAGTTGAAGAAAGGCCCTCAAACTTA  
TGGATTAGAATGTGAATATATATTACAATAAATAATCTATGGATATGACATTGTGTTGGCTCTGTTACCTAG  
GGATGGGTTTTATGTTTTGTTGGAGTGATCTTTGGGTCCTTCTAATATCTGTTCCATCTCTGTCTTTTCTCTTT  
GCAAGGGTACATATATATATATATATATGTATGCCTCTTCTAATTTTGGTTCAATTCAGTTAATATACCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_495 EU142021|Phaseolus vulgaris hetrotrimeric G protein alpha subunit (HG2) mRNA,  
complete cds

ATTCTGATTTAGCCGACACGTACAATTTTTCTCTTTTTCTCAGAAAAATTTCTCATTTCATTCTGTTCTTAA  
TTATACTCTTCTTTTGTACACTTTTCTCTCTTCCACAACTCCTCCTTTCGTTTTTTTTTATTCCTTCAATCAATT  
TTAATCTTTGATTAAACCCCACTTCACTCCAAGAACACGACGAGTTTCTCTTAGCTGCTCTACCAATCCGCCAA  
ATCTAGACCTCCGATTCCGCCACCCTTTACGACGGCTGGCTTTGAGGACTGTAATATGAGCAAGCATTTTTTTG  
AGGGAATTGGAAACCCATTTGATTGCGATGAATCTTTGCGAGTATAACTAGTGTTCTGCCGTCTTCTATGCTGT  
CTCATTTGAGTAGAAATATGGGCTTACTCTGCAGCAGAAATCGTCATTACAACGAACAAGATGCTGAAGAGAA  
TGCGCAGGCTGCAGAAATAGAGAGGCGGATTGAACAAGAAACAGAAGCTGAAAAACATATACAAAACTTCT  
TCTGCTTGGTGCTGGAGAGTCTGGGAAATCTACAATTTTAAAGCAGATAAAATTGTTGTTCCAACTGGGTTTG  
ATGAGGCAGAGCTAAAGAGCTATATTCCAGTCATTCATGCAAATGTGTATCAGACTATAAAAGTATTACACGA  
TGGTTTGAAGGAGCTTGCTCAAAATGATAAAGAGTTTACGAAGTATGTTTTATCCAGTGAAAATAAGGATATT  
GGCGAGAAATTATCGGATATCGGAGGTAGATTGGATTACCCGCGTTTGACTAGGGAGCGTGACAGGATATA  
GAGACTCTTTGGAAAGATGCTGCGATTGAGGAAACATATGCTCGTGGTAATGAACTACAGGTTCCAGATTGCA  
CACAATATTTTATGGAATTTGCAAAGATTATCTGATGCAAATTATTTCCAACTAAGGAGGATGTACTTTAT  
GCAAGAGTCCGCACAACCTGGTGTTGTTGAAATCCAGTTTAGCCCCGTTGGTGAAAATAAAAAGAGCGGCGAA  
GTGTATAGACTGTTTGATGTTGGTGGACAGAGAAATGAGAGGAGAAAATGGATTATCTTTTTGAAGGTGTT  
ACAGCAGTAATCTTTTGCTGCTATTAGTGAGTAAGACCATCACTCTTTTAGCCCACTTATGATTCTGTGGCA  
GTCTATGTAGATAAAAGAAAAGCCTATACATTGAAATCTGAAAATCTATTCCATTATCATTGATGTTTTCGGAG  
CAACAACTGGGTTGACATGGATGCTCCTGGAAGCTGATGAGATGGGATGCCATTTGGGACTATGTAATTGTG  
CTACAAAGTTTTGTGAATGGAGGCTTTTTATTACCTTCTTTCTCTGTTTTCTTTTCATTTGTTTTCTGCTGGAGT  
GGGTGGGAACCTAAGTTGGAAA

>trans\_c\_496 EF555556|Gossypium hirsutum biotin carboxyl carrier protein subunit (BCCP1)  
mRNA, complete cds

TCACGTGGTAGTTAAGAAAAGAGACCCCATTTTACCAAAGACAAGTGACAACAAAGGGCGACCGAGTTAATC  
TCATCTTCTCTCTCCGTCTCATTGGTTTCATCGTCTTTCCCTTCCCTTCGCCACCTCCATCTTCGCCGGCGGACA  
TTCCTAAGCTCTCTCTCTCTCTTCTCTTCTTCACTACAATCTCTTTTCATTATCGAACAGATTCATTTTTT  
TCTTTCATCTCATATCATCAATGGCTTCTCCGTTGCTTCAGCTTCAGCAGCTTCGCGAGTGGCCAAACCTCC  
CTCCACTACTCTGCCTCTCGCACTTTCACTACAACACCTCTCATTCTCGCTCTCGTTTCGCTACCCAACAAG  
CCCAAACTCCGAATCTTCACAAGGGGGGTGCAGCCTGTTGTAAGCATTCACTTTTATTCAAGCACAATTGAA  
CGAGTTGTCTGTTTCATTGAAGGATCCTGTTGATGTACCTACTGTTGCAAAGATTACATCTGAATCTGATGTTTT  
AGCATCAGATGGAAGTGCTAAGCCATCGAGTGATCAATCTTCTAAAATTTGGCAACGGAAGAGTCGATCTCT

GAGTTCATTACTCAAGTTTCAAGCCTTGTCAAATTGGTTGATTCCAGAGATATTGTAGAGTTGCAATTGAAACA  
GCTTGACTGCGAAGTGGTAATTCGGAAAAAGGAGGCCTTACCACAGCCACCACCTCCTGCTGTGGGTCCAATG  
ATGTATGCACCTCCACCGTCAGTAGCACAGTCAGCTCCTCCACCTATGCCTGCTGCACTACCAGCGCCTGCTTC  
TGCTTCAAGTGCACCATCTTCACCTCCGCTGCCAAGTCAGCCACATCCTCCCTTCCAACCTTTAAATGTCCTAT  
GGCTGGAACATTCTACCGTAGTCCGGGACCTGGAGAACCACCATTTGTGAAGGTTGGCGATAAAGTTCAGAA  
GGGACAGGTTTTATGCATCATTGAGGCCATGAAATTAATGAACGAAATAGAACTGATCGATCGGGGACCAT  
AGTCGAGGTTCTTGACAGAGGATGGGAAGCCTGTTAGCGTTGACACGCCTTTGTTCTGTCATTCAACCTTAGACT  
AATCCTGTTTCGAATACAAGTGACGAGTTAAGCAGATGAGATTAAGATGAGTTTGGGAAGCAAATTGAGTTTC  
CAAGGAAGTTTCGGTTGTGAGTTAGTTATGGTAGTGTCTATTTTTATCCCTCTTCTTTCTTCTTTTCTCTTTA  
ATTGAGTGTAGACAGAGAGATATTGTGTTGATAAATGTCAATTCCTTTTACCAGTTTTTGTGGGAACTTTCATC  
CTTCTTTGTGATATCTGATATAAATATATTTATCCTCTAATAAGAACTGCTTATTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_497 NM\_001059117|Oryza sativa Japonica Group Os04g0376500 (Os04g0376500)  
mRNA, complete cds

AGAGTTGCTCTCCTCTTTCCCATCACCGGACCGTGCCGCCGCAGGTAGGGTTTATTCAAACAAAACCTCTCTTTC  
ACTTTTGCTCCTCCCGAATACGCACGTACGTAGCTGCTTCTGCTATTCAATTCGCGTCTTCTTCCATCGAATCCT  
TAATCATGGCAAACCTCGATGGCTAGATCTTTTCTGCAGGTTGCTGCTACGGAAGAGGTTGCTTCCCCTCTTCGT  
GTTGTTGAGATTGAAGGATTGGTTATATTGAAGATAATCAAGCATTGTAAGGAGTTTTACCAGCTCTTGTGAC  
CGGGCAGCTTCTTGGGCTAGATGTTGGTAGTGTCTTGAAGTCACTAATTGCTTTCCTTCCCAGCTCGGGAGG  
AGGATGAGGAGATTGAAGCCGATGGTGCTAATTACCAGCTTGAAATGATGAGATGCTTGAGAGAAGTCAATG  
TTGACAACAACACTGTTGGATGGTACCAGTCAACCTTCTTAGGTTTATATCAAACGTAGAGCTTATTGAGACG  
TTTATGAATTATCAGGAAAAATATTAGGCGGTGTGTCTGCATAATTTATGACCCATCAAGGTCTAATCAAGGCGT  
CTTAGCTCTTAAAGCATTGAACTCTCGGATTCTTTTATGGAACCTTACCGCACCAACAGCTTACAGGAGAGA  
AGTTGAGGGAGAAGAAGTATCATGGGTGGATATTTTGAAGGAAATACCTATCAAAGTTTCAAATTCTGCCCT  
CATTAGTGCTTTTATGACAGAGCTTGAATCTGACTCTCCGGTCACCCAGTGTGATTATGACCGCTGCACTTT  
CAACCAATCCATTTATGGAGAGGAATGTGGAATTTCTGATTGAATGTATGGATGATTTGTGAGTCGAGCAACA  
GAAGTTCAAATTTTACTATCGGAGCCTGACCCGTCAACAAGCTCAGCAACAAGCATGGCTTCAAAAAAGAAGA  
GCCGAAAACATGACAAGGAAGGCAGCAGGAGAAGAGCCTCTCCCTGAGGAGGATCCTACAAACCCCATCTTT  
AAACCACTCCCCAAGCCATCACGTTTGGATAGCTATCTCATAACGAATCAAATATCAAACACTACTGCAATCAAAT  
TAATGGGGTTGCTGGACAGAGTTTCAACAGACTTCATTTGATGAAGGCTCTTACGACGACTAATTTTGTGCT  
TTTGAAGGTCTATTCTCTCGCTGCATCTTCATTTTGTAAATCACTGTGAAATTGGGAAGAGATAGAACTAGAG  
ATTTTACTTTTACATGATGGCTACCTCCGTAGAAGTGGATGTTGTAATCTATTTGCAATTCATTCAATATTATTG  
TTTTGAAATCCCATGTGGGTTTTTGGATGATGCCTTTGCTAAACGTGTTTTAAGAAAATTACTTTTTTCTTGAG  
CATTTTTGGGGAGGGGAAGT

>trans\_c\_498 AY105868|Zea mays PCO101990 mRNA sequence

TTCCCTCTCTCTCTCCCGGCTCACCTTCCAGATCACACCAGGAGGGAATTCAGAGGTAGATCTGATGTACTT  
GGTGGTCGATCTCAATTAATCTCAAGATCATGATGGCCCTTGAACGCAAAGAAAGTATGCAGAGGAACTGTG  
AGGCCTCTATAAAATGCCTCCAGAATAATGGGATGCCATTAGTCTGCAACATAGTGGAAATTCTGCGGATGG  
TTTCCAAGAAGTACGGATGAAATCAGTTGTATGCCAACAATGATATTCCTGAAACAAACCATCCATTGGTTA  
ACAATTTTATTGAACGTCCAAATGAATTTCAACAACAACTGCTTATCAGCATAATTCTAGCTCATGGCCAGCC  
TTCCACTTTGAGTCTCAAAGGTGCAGCAGTGCCAGATGAGTGCTTCTGATTGCCAGTTCTACTCTTTGCCAGT  
GGAGAACCGCTTCCAATATTTTCTTTCAAATGTTTGAACATAATTATTGCGATGTTGGTTGCAAGAGTTCC

AATATTTTGTGGTTATAGACTTTGAAGCAACGTGTGATAAAGATAGAAATCCCCATCCACAGGAGATAATTGA  
GTTCCCATCTGTCATTGTAAATAGTGTGACTGGCCATCTGGAAGCTTGCTTTCAGACTTATGTGCGCCCAACTT  
GCAATCAGCACTTGAGTGATTTCTGCAGGGATCTAACTGGCATTGAGCAAAATTCAGGTGGACAGAGGTGTTAC  
TCTCAATGAAGCTCTCCTCAGGCATGATAAATGGCTTGAAAAGAGGGGGATTAAGAATACAAATTTTGCAGTG  
GTAACCTGGTCAAACCTGGGATTGCCGAGTCATGTTAGAGTCGGAATGCCGTTTCAAGAAGATTGCGAAGCCTC  
CATATTTCAACCGATGGATCAATTTAAAAGTTCCATTTCTGTGAGGTTTTTGGGGGAGCACGATGCAATCTGAA  
GGAAGCTGTTGAGATGGCAGGCTTAGATTGGGAAGGTCGTGCTCATTGTGGTCTTGATGATGCCAAGAACAC  
TGCTCGTCTACTTGCTCTTATTATGCATAAAGGCTTCAGATTCTCCATAACCAATTCATTGATGTGGCAGACTAC  
TGACTGTCCATTGCAATGGAAACAATCCCCAGAAACCGTTACGTTCCCTCCGCAACCGCCAATGAAACCAAAA  
CCTATGCACATTCCCATTTGTCCAATACTTCCCCTACTGCTTCTGTGGGGTCAGAAGCAGCAGAGGTATGGTTCCG  
CAAGCCAGGACCAAAGCAAGGGAGTTTCTTCTTTGGCTGTGGGAACCTGGACTGCTACCAAGGGGGCAGTTG  
CCATTACTTCCAGTGGGCCTCTCCCTGATGCATGAAATGGTTTATGAATCTTCTTATTGAAGAGTTCACTAAATG  
AACTTATGTAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_499 NM\_116044|Arabidopsis thaliana seven in absentia (SINA) family protein  
(AT3G61790) mRNA, complete cds

TATCGACCTATCAGAAATTTTGAATGAAAAAGGGAAAAAGAAAAAACTTCCATTATTAATAATCCCTCCTTCT  
AAATCCCTCCTTCTACTTCTTTCTCCTCATTTCTCCAATCTCAACCACCCATTTTCATCTCTTTGATCATCCATCTTC  
ATTCCTTTCTTCATTCTTCACTTTTTCTCGACACCCTTTTCATTTCTATCCCCAATTCGCCGGTTTTTCATGGC  
GAATACCTCTTCCCCTACAAAACCCATCATCACATTTTGATCCTCTTTCGATTTAATTAATACCCAGTTGGATAG  
GTTTTTGTGTTGTTCCGTAAAAATGGAGCTGGATGGCATCGATGGTATGCCATCCATGGATGTGATGGACGAGG  
AAGATAAGACCCTTCAACGTCACTGTCAGTTTCCTTCGATTTCGAAGCCTCGAATCAACAATAACGACAATCCC  
ACAACCACAAGTGTCCATGAGCTTCTGAATGTCCTGTTGTACCAATTCTATGTATCCCCCAATTCATCAGTGT  
CCCAATGGACATACCCTCTGTTCTGTCATGTAAACAAGGGTAGACAACCGTTGCCCGACATGCAGACAAGAGC  
TCGGTGATATCAGATGTCTAGCATTAGAAAAAATAGCTGAATCGCTTAAACTGGCTTGTAATTCTCCACATTT  
GGGTGCCAAGAGATATTGCCTTACTACAGCAAACCTCAAACATGAATCTGCCTGTTACTATAGACCATATACCTG  
CCCTTATGCTGGATCAGACTGCCCAATTGATGGCAATATTCTTTCCTTGTTTCTCATCTTCGGGATGATCACAA  
GGTCGATATGCATTCTGGATGCACGTTTAATCATCGTTATGTAAAGGCTAATCCATGCGAAGTTGAAAATGCC  
ACATGGATGCTAACTGTCTTCCACTGTTTTGCCAGTATTTCTGTCTTCATTTTGAAGCCTTTCAGCTGGGTATG  
GCACCGGTTTACATGGCATTCTGCGATTTCATGGGGGACGAATCCGACGCTCGAAACTTCAGTTACAGCCTCG  
AGGTTGGTGGAAATGGCAGGAAGCTGATTTGGGAGGGCAACCCTCGAAGCATTGCGGACAACCACAAGAAA  
GTTAGAGACAGCCATGATGGTCTCATTATACAGCGAAACATGGCGTTGTTCTTCTCGGGAGGACAAAGGAAA  
GAGCTGAAGCTGCGGATCACTGGACGGATTTGGAAAGAACAAAATAAACAGTAAAATTGTTAGAGATTCAAC  
TCTTTATGTATTGACTGTAATGCATAACATTTGCTTCACTTTATCCAGCAGAAGCCAATCTTGAATCAGTTCAT  
ATCTCTATTTTCCAAATCTAACAGGAAGAAAAAAAAAAAAAAGGCCTTAAAACCATTTTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_500 NM\_121111|Arabidopsis thaliana binding / catalytic/ coenzyme binding  
(AT5G10730) mRNA, complete cds

AGGCTCACATCGAGCCACAAGGCCTCAAACCTGTCGCATCCATTGCGCGCCACGTTCTTCATTCTCCTCTCCCC  
AATTTCTCTGCCCAAAAACCTTCAACCTAAACTCTTCTGCTTCATTAATCGTTTGTTGATTTTTGACACCGAA  
ATCCACACACATTTAGAGAGAATTCGTTGGTGGGTACGAATAGAACTTTCGAACAAGGAATTGCTTACAGTTT  
AATCGGATATGAGTTCGACTCTTTCGCGGTTGATCCATTCGAGATCATCGTTTCCCAAGTTGTATACGATGGCC  
GCTTGTCGGAGTGGAAGACCGTTTTCAACAGATTCTAATAAGATCGATGAACCGTTCAAGGTTGAGGAAGCT

GAAACAGTTAATGTTCCCCACCTCCAAGTGAAGAAGCTGCTGGTGCTGGGTGGAAATGGATTGTGGGCTCTC  
ATATCTGTCAAGAAGCTTTAAATCGTGGTCTTACAGTTGCTAGCCTTAGTAGGTCAGGAAGATCATCAATACGT  
GATTCTTGGGCTAACCATGTAATTTGGCATCAAGGAAACCTTCTTTCACCTGATTCATTGAATGAAGCTTTTGAT  
GGCGTTACAGCTGTTATCTCTTGCAATTGGTGGTTTTGGCTCTAATTCTCAAATGTACAAGATTAATGGGACGGC  
AAATATCAATGCAATCAGAGTTGCTTCAGATAAAGGTGTGAAGAGATTTGTATACATCTCTGCGGCTGATTTT  
GGCTTGGCTAATTACTTGCTACAAGGATATTATGAGGGAAAGCGAGCAGCTGAGACAGAACTCCTCACTAAAT  
TTCCTTATGGAGGAGTGATTTTGAGGCCGGGATTTATTTATGGGACCCGTAATGTTGGGAGCATGAAGTTGCC  
TCTGGGAGTAATTGGTTCTCTTTGGAAATGGTTCTTCAACACGCCAAACCACTACACCAGCTACCACTCATTG  
GTCCCTATTTACTCTCCGGTAAGTGTGACATCTGTGGCGAGGGTTTCTGTTGGGCGAGCAACAGATCCCGTC  
TTTCCCCCTGGCATCATTGACATCTATGGTATACAAAGATACAGTCAACACAAGTCGAAATAGATTTGATAAGA  
GACGTAAAGACACGAACATTTTCTGTCCTTATGGCATATATAAATATATTAGAGAAAATCCAAATCTAAATGTC  
GGTTGTGTCTTCTCACTTGATGGGATTTACTTTGACAGTTTGTGTAGTGGGTGAAGATGAAAGACGGTTCATT  
TTCATGTATCTGGTGCCAATAATATCGTGCAGAGATCTGCAAATCTTTTGATAAGCCATCTTCTTTTGCCCT  
TCCCTTTCTAATTTGTGATAGGGGAAGAAGTGTCTGAATGGGTAGTCTTTTCAGAAACCCAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_501 NM\_121474|Arabidopsis thaliana cinnamoyl-CoA reductase-related (AT5G14700)  
mRNA, complete cds

AACTTCCAATGGGCATTGCAGGAGCCCAACATCAGCGTCGGACAGTGGATTGGAGGACCTCCGCCGCATCTC  
TGAACGTACCCCTATGCATCGGAAGGATTCTGATGACTTCTATGGAAGGAGAGTTTTGTCCAACCTCCTCTG  
ATACCGACGAGGAGCCCGGCGACGAGCTTGTTCGTTACAGTGGCGTCTCTCTTAGGCCTTGCCTCGT  
GAATCAACTTCTGCAGCGTGGATTTCCGTTTCGATCCTCCTCGATAATCCAGATGATGCAGAAGATGGAGGA  
AAAGTGAGAGAGATGAAATTGAAATCAGAAGCAGGTGGTGGAGTTAGCCGAATATCGACATTGTCGGCCGA  
TCTAACGGAGAGCCATAGCTTAGTAAATGCATTTGAAGGATGTCGTGGCGTATTCCATACCTCTTCTTCATCG  
ATCCTTCTGGGCTCACCGGCTATTCGAAAGCCATGGTTGAGGTGGAAAAGAAGGTGAGTGAGAATGTCATGG  
AGGCCTGCGCAAGAACGTCATCCGTAAGATACTGTGTTTTACCTCTTCTTTTGGCCTGCATACGGCGTGAC  
GGAACACGAGCCGAGCTCCCCCGGTCGTCGACCATGATTGTTGGAGCGATCGATCACTATGCAACGATAAA  
AACTATGGTATGCTTTGGGGAAGCTGAAGGCGGAGAAGGCAGCATGGAGGATTGCAAAAGAAAGAGATAT  
AAAGTTAGTCACCATTTGTTCTGCCTTGGTAACTCCTCCTCCAAACTCTCTACAACAAATTCAACTCCAACAAT  
TGCATATCTCAAAGGAGCAGAAGAGATGTATGAGCAAGGGCTACTGGCAACGGTGAGCGTGCGAAGATTGG  
CAGAGGCACAGGTGAACGTTTATGAGGCAATGGGAGAAAACGAAGCACATGGAAGATACATTTGTTTTGATC  
AAATAATCAAGACAGGAGCTGAGGCAGAGGCTTTGGCAAGAGAAATATGTATCCCTATCACCAAATTTGCC  
AATCTCAAGAAGAAGAAGCATCAACAAGCACTTCTAGTAAGTTTCAGTTATCAAATAAAAGGCTTTTCAATCTC  
ACTTCTCAAGAGCTCCTTCTACTCGCTGTTATTCTCTAAATGCATTTCCCTAATCCAACATTACTCTTTTCACTT  
CGTTCATCAAAATCAATAATGTTTTGTATAATGGTGCAATTGTGTTAAAAAGAAAAAGTGCATAGATAAGTCG  
TAATAAATGATGAAAAGTATGTATTCCAACATAGATGTCTGAGGTTGGAATTGAATCTCAGACATTAAGCTAA  
AAAGAGGGATAACATGCTTAGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_502 NM\_112402|Arabidopsis thaliana UBC25 (UBIQUITIN-CONJUGATING ENZYME 25);  
small conjugating protein ligase (UBC25) mRNA, complete cds

ACTCCTTTTCAACGCACCGCCAAAAACGTTTAGTTTTCCCGTCACTATCTTAAAACGACACCTCCTCCGTCGTTTT  
GATACCAAAGGAATCAAATCTCTCATCTCTTTTATTTGTTTTATTTATTTTATGTTATTTATTTCTCTCCCTCA  
AGAAAATAAAAAATAAAGACACAAAAAATGGCTTCTCCATCTCCATCTCCTCCTCTCGACGGCGAAGA

CAAACATCCGACCACCGTCGATGGCGGAGACGAACCAAACAGATCGCTTTCGTCTCCGTCTCCATCGCCACCG  
TCGTTCTCCTTCAAACGCTTCGACATCGTCAGCGACTACTCCGATCACCATTACGCCGATTCAAACCTCTTCCCG  
AACTGCATTGGATCAGACGTCTCGAAGAAGATCATGAGAGAATGGAAGATTCTCGAAAGAAATCTTCCGGAA  
TCAATTTTCGTTCGCGCTTACGAAGAGCGAATCGATCTGTAAAGAGCAGTAATCGTCGGTCCATCCGGAACAC  
CATATCACGACGGATTATTCTTCTTCGATTTAGCCTTCACTTCAGACTATCCAATTACTCCACCAATGGTGTATT  
ACCATTCCTACGGATTGAGATTAAACCCTAACCTATACGAAGACGGTTACGTTTGCTTAAGTTTAATCAACACC  
TGGGATGGAAAAGAAGAAGAGAGATGGAATCCATCAATTTCAACAGTTCTACAGATTTTAATATCGATTCAAC  
CGCTGGTGTTGAATGAGAAGCCGTATTTCAACGAACCGGAGTTGGAAGAAGAAGAAGCGGATGATCAAGGG  
GAGATTTACTCAGATGCGTATAATAAGGAAGTGATTTGTTGTGTTGTGAGATGATGATGAAATTGATGAAGA  
ATCCGGTGAAGAATTATGAAGAATTTGTGAGGAATTACTTTGGGGAAAAAGGGGAAAGGATATTGGCGGCA  
TGTGAAGCATATTCCGATGGAAGAGTTAGGGTTGGGAGATACAATGAAAATGAAAAAGAGAACAACAACAA  
CAACAACAACAATAATAATAATGGTGAGACCTGTAAACGAGGGGATGTTTCTGCCATTTTCAAGGCGTTAATG  
GAGAAGACACATCGGGATCTGCACGCAGCTTTTCTCCATTTCTGCACCTCCTCGTAGACGGTACGAACTCCAG  
CTTTTTGCCTTTTTTTTTCTTTTTCTTTCTTTTAAATTATACAGAAATATTTCCGGTTAATCATAAGAAAAATTATT  
ACTTTCTTTTAGCCACAAAATTACTCTTAGATTAATTGGGACTTGGAATGGTGTGACAGACATGTCTAGAGAA  
GAAGTCTCGAGTAATTCGAGCAATATTGCAATTTGAAATAAATAAATAGTTTATGAGTGTTTTCTAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_503 NM\_001054014|Oryza sativa Japonica Group Os02g0625500 (Os02g0625500)  
mRNA, partial cds

AAGTTTGAGAATTGTGCCACACAACCTCCATCACTCACTCCCCAATTCCAGCTATAAATCTCCTCCATTTCTCACC  
TTCAGATCTGAATCTCATTCTTATTCTCTAATTTCTCTAATTTCTCCGGGTTCTCTTCCACTTTCTTTTCATCAA  
TGGCCTACGATGGTATACTTTTGGGGATGGGCAATCCTCTTCTTGACATTTCTGCCGTGGTGGATGATGATTTCT  
TTGAATAAATACGACATCAAGCCCAACAATGCTATCCTCGCGGAGGAGAAACATCTTCCAATGTATGAAGAGT  
TGGCAAAAAATCCTAATGTTGAATACATTGCAGGAGGTGCTACACAAAACCTCAATCAAAGTGGCACAGTGGAT  
GCTTCAACATCCTGGTGCAACGAGCTATATGGGTTGCATTGGAAAAGACAAGTTTGGTGAGGAGATGAAGAA  
AAACTCAAAAAGTGCTGGTGTCAATGTTCAATATTATGAGGTTGACTCTACACCAACAGGAACCTGTGCTGTTT  
GTGTGGTGGGTGGTGAAAGGTCAGTAGTTGCCAATTTGTCAGCTGCAAATTGCTACAAGTCAGAACATTTGAA  
AAAACCTGAAAATTGGGCATTAGTTGAGAAGGCCAAGTATTTCTACATTGCTGGATTTTTCTCACTGTATCAC  
CAGACTCCGTATTGCTGTAGCTGAGCACGCAGCTGCAAAACAAAAGTATTTCTCGATGAACCTGTCTGCTCCA  
TTTATCTGTGAGTTTTTCAAGGATGCACTCGAGAAAGTTTTGCCATACATGGACTTCATTTTTGGTAACGAAAC  
TGAAGCAAGGACGTTCTCTAAAGTTCAAGGCTGGGAGACTAAGAATGTTGAGGAGATAGCACTAAAGATTGC  
TGCGTGGCCTAAAGCATCAGGAACACACAAAAGGATTGCTGTTATTACTCAAGGTCCAGATCCAGTTGTAGTT  
GCTGAGGATGGAAAAGTGAAGAAGTTTCCAGTTATTTGCTGCCTAAAGAGAAACTTGTTGACACAAATGGA  
GCAGGAGATGCGTTTGTGCGAGGCTTTTTATCTCAGTTGGTTCAAGAAAAACCGATCGAAGACTGCGTTAGAG  
CTGGCTCTTATGCATCAAATGTCATAATCCAAAGGTCTGGGTGCACATTCCCTGAGAAGCCCGACTTTAATTGA  
GCATTTTGCTCTTGCGAGACCTTTGCCCCTCTCTAGCTTTCTACCCATTGCTCTTATTTTATGTTCTCTCTCGCC  
TCTGTTTCGTGTACCACAGCTCATGCAGATGTTGCCTATTTTGCACATCCATGGCCGTTACCATATCCCTGTTA  
TTTCTCTTGTGATAAAGAATGAGATATTTTTATATAATAGAGTACTTTACGATTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_504 NM\_001053537|Oryza sativa Japonica Group Os02g0527200 (Os02g0527200)  
mRNA, complete cds

ATCCATCAAACCGCAAAACGGATCCACCTATCGTCGTTTCTCTCCTACGCTATTCGCCGCCGTAAAACTGGGTA  
CCAACCGCCGTCCGTCCCGCGACGGAAAGTCTGGGAGTTATAACAACCTCCGAAGCTCTCGATCTCCGCTTCGA  
CCGGCGACTGAGGTATAACAAGAGAGGAGTACCATAGAGTACCTCATTTACTCTTTGATTCATATTTAGGAAC  
GATGCCGAACCCTAGGTCTCACAGGAAGGGGAAACTTGCGGAGAAGTCGTCGTCATTCCACGGAGAGAGTCC  
GACCAAGACGGCGACGACGCTCCGGAGGCCGAAGACGGATCCGGAATTGTTGTCCTTCAAGAATCTAGGTTT  
ACCGGCGTCGGCGCCGTGCTGGATGGACGACCGAAGATGACGAAATTACTCCTCAACGTGACGATTCAGGG  
AAGTCTAGGTCCAGTACAGGTGTTGATGTCGCCGAAATGACCGTGGCTGATCTTGTATCGGCGACCGTTCGT  
CAATACTTGAAAGAAGGCCGCCGGCGGATTTTGCCTACTGCAGATCCTTCCGCTTTTGGTCTTCATTACTCGCA  
ATTCAGCTTAGAAAAGTTTAAACAAGGAAGAGAAGCTGATCGCGTTGGGATCCAGAACTTCTTTCTGTGTCCT  
AGAAAAGTCAGACGATAACAACAATTTAATTGCTTCTCCTTCATCTTCTCGTGCTCGAAAAGAAGCTAAAGAAA  
CGCGAAGAGTAATTCCAGCAGTTTCAGTTGGTTCAAATTCATCGATTTCCGGATTTAGAAAACCGCCATAAACCG  
AATCTATTCATACATACATATTCAATCCGCCACTGTGAAAACCTCATCTTCAAATTCTCAAAGCCATATAACTTTT  
TTATTATCTTCAATTCTAAGAACTTCTTAAAGCCAATTTGAGATATCAGAATTTGATCGAGCAAAGGGAAACC  
GAAGATCATTCTGGAATTCTGTTCTTCTGCTGCTTCTGCTGCTGATCGACACAGGGGAAATTTTCAATATGTATA  
TATATAATATAGTTTTTGTGAGATTTCCGGTTGGTGAATAGAAATTATGTGAAATTTTTTGTGGAATTCATAG  
ATCATTTTCTCATATTATGAAATTTCCCGATTCGATGAACAGAGTCACGGCAGGAAAAAAAAAATCCTGAGATT  
CCGTGAAGGATGAAGAACTTCGTGAAAATAAAGTGTGGTGGAAAGGAACTGACGGTTCGGTTTTGATATG  
GAAAGAGATACGTTTGTGAAGAACACAGTTATTGTGAAGTTCGATGTCTCCACCAACTCTTCTTTTCTATTGC  
ATACCCCTAAGTCTTATAAGGCACGTCAATTTGTATCCTTATAATTTTATTAATTAATAATCTAAAATTCCTAT  
GTTATTTTGTAAAATTAAT

>trans\_c\_505 NM\_126401|Arabidopsis thaliana band 7 family protein (AT2G03510) mRNA,  
complete cds

AATCCGCCAAGCAGAGTCTACAGAACTCCACTATTTTGATTCAGTTTTCTCCACATCGATACCCCGCCATGGAT  
CGTAATCAGCCGCTGCAACCGCCATCTCCGCAGCCTCGTCTCCAGAATCCGGTGGGAGTTCCTCATCCATACT  
TATAGTTTTCGCCTCCTCCTGGCCATCTTTCCATGGTGGTCTTTCCATCTCAATCAAACCTTGTCAGTAATCTT  
TCTATTTTACATCAAGTACCGGAGGGTCATGTGGGGGTATATTGGAGAGGAGGTGCCCTTCTGAAGACAATA  
ACTGATCCAGGTTTCCATCTGAAGTTGCCACTGATAACCCAGTTTGTGCCTGTTCAAGTGACCCTCCAAACCGA  
TCAAGTAAAGGACATTCCATGTGGTACTAAGGGGGGTGTGATGATCAACTTCGAGAAGATAGAGGTTGTCAA  
TCGCCTCCGCAAGAATATGTGTATGACACCCTGGTCAACTATGATGTGAATTATGATAACATATGGATATATG  
ATAAAATTCATCATGAGATCAATCAGTTTTGTAGCTCCACAGTCTTCAACAAGTTTATATTGATGTCTTTGATC  
AGATCGATGAAAAGATGAAAGATGCCCTCCAAGGTGACTGTACACGTTATGCTCCTGGTATTGAAATAATCAG  
TGTTCTGTGAACCAACCTACCATCCCAATTCTATCAGAAAAGAACTTTGAAGACATGGAAGTGGAACGTACA  
AAGGTTCTAATTGCCGTAGAGAGACAAAGGGTAGTAGAGAAAAGAAGCAGAAACCAATAAAAAAATGGCAAT  
TAGCGAAGCCGAGAAGAATGCTAATGTTAGCAGGATCCTCATGGAACAGAAATTGATGGAGAAGGAGAGTT  
CCAGGAGACAACAAGAAATTGATAACCACATCTATCTTGCTCGTGAAAAGAGTCTCGCGGATGCCAATTATTA  
CCGGGTACTAAAAGAAGCTGAAGCCAACAAGTTGAAGCTTACACCCAGTTTCTTGAGCTAAAATTTATCGAG  
GCCATTGCTGATAATACAAAGATTTTCTTCGGGGACAAGGTTCCAAACATGATTTTCGATCAGAGGTTGCTCG  
GAAACTTCTGCATCAGGTGGCGGAAAATGAATCAAGAAAAGCCTCAGGGGAGGCAGATTTAGAAATGTAAT  
CCAAGATTTATCTTCTAATGGTCAGATAACGTTTCAATGGGAAGCAATTTTCGTGATGCATCATTTGACAACT  
CAAGTAAATACCTCCATTGAGATTTTCTTTTCTGTTTAGCACACAAGTCTGTTTCACAAATTTTGAGTACTTACC  
AATAACGTGATTTGAACCTGCATCGAATAAATTAATTTTAATAAATTTTGAGAGTAATGACGTGAACTAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_506 NM\_001075071|Oryza sativa Japonica Group Os11g0703600 (Os11g0703600)  
mRNA, complete cds

[illegible]

>trans c 507 X74507|P.sativum mdh mRNA for chloroplast malate dehydrogenase (NADP+)

CTTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAATCCCTCTCAATAACATCTCTTCTTCCCTTCT  
TCAACTCCGCCATTTCTCCATTTCTGTGTCTCCCTCTGCTGCAATGGCCGTAGCAGAGTTGTCTCTCTTTAAA  
AACTGAACTCAACTTCTCCTCCAACACTCTTTTCACTCCAATCGTTTCTCCGCTGACCACCGTCGCTGCTCTTTC  
CGCCCGTTTCATCGCTCTCAAACCTCCCGAGTCACTTGCTCTATCAATCAAGTTGAAGCAGCTCCAGTTACAGC  
GAAAACAGAGGACCCTAAGAGTAAAAGCGATTGTTATGGTGTTTTTGCCTCACATATGATTTAAAAGCTGAG  
GAAGAGACAACATCATGGAAGAACTGATCAATGTTTCAGTCTCTGGGGCTGCTGGAATGATATCCAATCATC  
TTCTCTTCAAGCTTGCATCTGGTGAAGTTTTCGGTCTGATCAACCTATTGCATTGAAGCTATTGGGATCAGAA  
AGGTCACTCCAAGCACTGAAGGTGTTGCTATGGAATTGGAGGACTCCCTTTTCCCTCTTTTGAGGGAGGTGG  
TGATAAGCATTGATCCTCATGAAGTATTCCAAGATGCAGAATGGGCTCTTTTGATCGGAGCAAAGCCTCGAGG  
ACCAGGAATGGAGCGTGCCGCTTTATTAGATATAAATGGGCAGATATTTGCTGAACAAGGCAAAGCTCTAAAT  
GCTGTTGCATCCCCAAATGTCAAAGTCATAGTTGTGGGCAATCCCTGCAATACCAATGCATTAATCTGTTTGAA  
AAATGCTCCGAAAAATCCTGCAAAGAACTTCACGCTTTAACTCGACTAGACGAGAATCGAGCAAAATGTCAG  
CTGGCTCTGAAAGCGGGCGTCTTCTATGATAAAGTGTCAAACATGACCATTGTTGGGCAACCACTCAACAAC  
AGGTTCCAGACTTCTTGAATGCAAAAATTAACGGCTTACCCGTTAAAGAGGTTATCAAGGACCACAGGTGGTT  
GGAAGAGGAATCACTGAAAAAGTACAGAAGAGGGGGTGGTCTGCTAATTGAGAAATGGGGAAGATCTTCAG  
CTGCTTCAACTGCTGTATCAATTGTTGATGCCATAAGGTCTTTAGTTACTCCAACCTCTGAAGGCGATTGGTTTT  
CATCTGGGGTATATACCACTGGAAATCCTTATGGCATAGCAGACGATATTGTTTTCAGCATGCCATGCAGATCA  
AAGGGAGATGGTGACTATGAACTTGTGAAAGATGTTATATTTGATGACTATCTCCGCAAGCGAATTACCAAGA  
CTGAAGCTGAGTTGCTAGCTGAGAAGAGATGTGTGGCTCACCTCACAGGAGAGGGGTATTGCTGTATGTGATC  
TGCCAGGAGACACAATGC



>trans\_c\_508 D38019|Beta vulgaris subsp. vulgaris chloroplast genes for Pro-tRNA, Trp-tRNA, cytochrome b6/f complex subunit 5, PSII cytochrome b559 subunit, PSII L protein and PSII component

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGGAATTGGTTAGTCGTCCAGTAACAAGTAACAGTAGTACATAGGA  
TTCGATGAACGAAACAGAACGAATAGAAGAATAATAAATATTCGTAATGCACGCATTATTGTTTTATATTA  
GACTCAAACGATCGTTCCTCACTAATTAGAAGAATGTTTTAATATGGAAAGAATAAGAATAAATGGAGAAC  
CTAGTTTCGAGTGATCTGATCGTGCGATACTTTTTCTTTTTAAAAAGATTTTATGGAAATGAACCCACTACA  
TAAAATCTAATTAGTGGGAATACAATTCATAAATAAAGGGCATTATAAGGTCATTCACTTCAGCGATTCAA  
AGAGCATTTCATTTTTGGAATCAAGTTACACAACATAGTTTATTATTATTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTCTT  
TCTAATTATTTAGAATCCATTTAATAGATTTATATATTTACTAGATTTATATATTAAATTATTGTTTATAAATTCTT  
TATAATAAGAATATTTGTTTTGAAAACCAAGAGTTGTTCAATGAATCCCTTGATTCCGAATTGCGGGATAGAG  
AGACAGATGATGAATTGATTTCTTACCTATGTCACAAGATTTTTGTTAGTATCATCTATAATCATAATAATAGAT  
GAATCAAAAACCTTCACTTGAATATATTTTTCAATTAGTATTTTACTTATCCATCCGCGTATCTTCAAAAATA  
GAAACTTAGGGAAAGTGCTTTATAAACATATGGATAAAAAAAGATTTTCATTTAGCCTCGTCATGCTTACTAT  
CACTAGTTATTTGCGTTTTCTACTAGCAGTTTTAACTATAACCTCAGCTCTATTTATCGGTCTGAACAAGATACG  
ACTTATTTGATTAATAATTCATTGAATGCACAATCAAAAAAAGAAAGATTTGCGGTGTTATTCAATATATTCTAT  
ATATTGTAGAGTTCTTTACCTTGTCATTCAATTCGAATTCTTGGTCATTGAGATTCATGGGCAATACCGATTA  
ATATTTAAGGATAGATATTACCTCTCCTTTCCCTCGTTCACTAAATTGAAATGATTGAAGTTTTCTATTGGGA  
ATCGTATTAGGTCTAATTCCTATTACTTTGGCTGGATTATTTGTGACCGCATATTTACAATACAGACGGGGGGA  
TCAGTTGGACCTTTGATTAATTAACAGTTCTTTTTTTGATTGACCCCTACTTGCTTTATAGGAGGTAAATTTT  
GATTTCTGTTGAATTATTTAGTATCATTTTGATTTAACAACAACAAGAATCGAATCACGCTCTATAGGATTTGA  
ACCTACGACGCTAAACCCCAAGAGTTTATACCTCGTTAGGTCAGGTCGGAGATACCCCGGATCAAA

>trans\_c\_509 X66145|N.tabacum nir-1 mRNA for nitrite reductase, partial

CAATTTGCTTTGCGAATTCATCACGGGCAATTCCTTGAAATCCTGCTTTCACCAATTTGCCAAGAAAGTGGA  
ATGTGTGTGTGATAGGATCACACGATCTGTACGAACACCCTCACATTAACGACCTTGCGTACATGCCCCGTACA  
AAAAACGGGCGAATGGGGTTCAATGTGCTGGTGGGTGTTTCTTCAGCGCCAAGCGATGCGCTGAGGCTGTG  
CCGCTCGACGCTGGGTGCCTGAAGAGGACATTGCCCTCTCTGCGGAGCCATCTTGAGGCCTTCAGGGACC  
TCGGCACCAGAGGCAACCGCCAGAAATGTAGAATGATGTGGCTCATCGATGAACTGGGCATAGAAGGATTTA  
GAGCTGAAGTAGTAAAAAGAATGCCAAGACAAGAGTTGGAGAGAGCATCATCCGAGGATTTGGTAAAGAAG  
CAATGGGAAAGAAGGGACTATTTGCGAGTCCATCCAAAAACAAGAAGTTTAAGCTTTGTAGGAATTCAC  
ATTCCTGTTGGTCGAGTTCAAGCCGATGACATGGACGAGTTGGCTCGACTAGCTGATGAATATGGCACAGGG  
GAGCTCAGGTTGACAGTAGAACAAAACATAATCATCCCCAACATTCAAAACCTCAAAGTTAGAAGCCTTACTCA  
AAGAGCCTCTATTAGAAAAATTTTACCAGAACCAATTCTCATGAAAGGATTGGTAGCTTGCACTGGCAA  
TCAATTCTGTGGACAAGCCATTATAGAGACCAAGGCTAGGGCCTGAAGGTGACCGAGGAGGTGCAGCGGC  
GAGTCACAGTGACCAACCAAGTGAAGGATGCATTGGACCGGTTGCCCTAATACATGTGGCCAGGTTGAGGTTG  
CTGATATTGGCTTCATGGGATGCATGGCTAGGGATGAGAACAAGAAGCCTGTAAAGGGGTTGATGTTTTCTT  
GGGTGGGAGAATTGGGAGTGAATTCATTTGTGGAGATGTTTACAAAAAGGCCGTCCCTTGCAAGGATTTAG  
TGCCCTTGTTGTGGACATTCTGTACAACATTTGGGGCTGTCCAAGGGAAAGGGAGGAGGAACAAGAGG  
ATTAACCTATAAAGCAGGTTGTATATCTTTCAAGTTCGGAATCTTTGGACATACTGGAAGACATTTTACAAACA  
ACCAATTTGTCAAATGGGTCAATACAACCTTTGGGACATTCAAATAGACAGCCATTTTGTATGTAATAAAGC  
TAAGATTTGTATTTCAAAGTTCGTAATCATACCCCATATGTTTCATTAAGTGAAGAAAAATGGCAAT  
AAAATGTGCATTTAATTATCTTTGATCAAATGAATAAAGTAATAAACCAATATAAGTTACCATGCTTGTTTA  
AGCTGGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_510 BT012583|Arabidopsis thaliana At2g27090 mRNA, complete cds

AACTCAAAAGAGGATGTCGAGGACTACTCTAGCAACTTATTCGAGAACTTCTGCATGAACTCTGGTAGTCATG  
CTTCAACCTTGGATAGGCTTTATGCATGGGAAAAGAAGCTCTATGATGAAGTTAAGGCTAGTGAGATGGTCA  
GGAAAGAGTATGACCTCAAGTGTAAGTACGTACGTCATTTAGAATCAAAGGAAGTTGGTCTACCAAAAATCGA  
CAAAACACGAGCTGTTATCAAGGATTTACATTCCCGAATCAGAGTGGGAGTTCATAGAATAGATTCTATATCA  
AAGAAAATTGAAGAATTGCGAGATAGAGAGCTCCAACCGCAACTCGAAGAATTAATTGAAGGGTTAAGTCGG  
ATGTGGGAAGTGATGTTTGATTGCCACAAGAATCAACTACAAATCATCAAAGCAGCATCATACCACGGCAACA  
TGAAAATCTCGATGCACTCTGAAACAAGGAGGCACAACACCATTTATCTTGAAACTGAACTCGCATCTTTATCA  
TCAAGTTTTATGAAGTGGATTACAGCACAGAAGTCGTATCTGCATTGATAGATGGATGGCTTCTCAAATGTG  
TGACTCTACCTCCATCCAGGGGAAAAAGGAGAGCACAGACTCCATCCATCAAAACTTTTGGACCACCCCTAT  
ATACATTACATGTAGTGTCTGGTTGGAAAAGATTAAACGAATTACCAACAAAGGAGGTCGTAGATTTCGATAAAG  
GATTTGGCAGCTGAAACTGCCGTTTTTGCCTCATCAGGAGAAAAACCCAGGGAAGGGGAAGGTTGCAAAA  
AAATCTTTCAGTCTTAACATCGTTTAAGGGTAACAATGACAGTGAGTCAATAGGGAATAATTTGGTACAAGGG  
GAAGCATCAGAGAGCTTGATCTCTGGTTTTGATCATTTGAGACCAAGCTTGGTTAAGTTTTTGAAGAAATTGAA  
TAACTTTGCAGATTCTTCTGTGAAAATGTATGCAGAACTGGGAAGACCATTCAAGAATTAAGAGTCATTACG  
AACAGTGGAAGGCCAGAGAATGGAGACACAAGCGGGAATCTGAGTATGAAGAAGAAAATGCGAAGGAAA  
AGGTAAGAGGGGATTTGTATATGAAAAACAAAATAAAGAAGGCTGTTCTATGTCTTACCAAAACCTGGAAGC  
AGAAAATAAAGGAGAGGCTGATGCAAAACAAGCACATATAAATATAGAAGTATATATGAAGATAAGAAG  
ATTGATGTTGGAAGGTGTAATTACGAGTGTTTTACATTTACACGTCAAATAAAATCAATTTGCAGAGTTAATA  
TTAGGGGCATTGTACAGTTCTATTCTCCATATAAAACACAAGGACACACCTTCTCTATCTTGTCTTAGTTCAT  
TCATATGAAACTTCATCACATCATTCTCTCAA

>trans\_c\_511 NM\_001070656|Oryza sativa Japonica Group Os10g0135600 (Os10g0135600)  
mRNA, complete cds

TGAACTTCCGCCAATTCATTCTTTACATTCTTCTTACTTTTTTTTCAACTGCAAGGCCACCGTCCATCGGCCCCA  
TGAAGTTGGATTCCGACCGTCGGAGCTTTCTTCTTTCCCGGAAGTGATTTCTTCGATCGATCTCCGCGAAA  
ATGTCCGATTACCTTCAACCTCAAAGGAAAACGATCCCGGAGCCGCTGTTGAGGTGGGGTTCCGGTGGTTG  
CGTTGTTGTTGCAGCGAAGAAGTCGCCGATCGATGGTGTTCGCCAGAGCTTAACAAAATCGTTCCAGAAA  
CTGGACTCCGCTCCGGCCCGCCGACGGGTCCGATCGGCTTTCATGGAGCTTCAACAGCAGCTGGATCACTGCT  
TATCAAGATGGCTCCTGCTGGAATCAAGACCCAGGAGTGGTATGAGTGTAATTCAAGGGGCTTAAATATTTT  
CTGCAAAAGATGGTTTCTGAGCCTGATGTTTATTAAGGCGCTGTCTGTTTCTGCCATGGCTATGGTGATA  
CCTGCACTTTCTTCTTTGATGGAATTGCTAGACACATTGCTGCATCAGGGTATGCCGTTTACGCTATGGACTAT  
CCTGGTTTTGGACTTTGGAAGGATTGCACGGTTACATTCTAACTTTGATCAACTAGTTGATGATGTTATAGA  
ACAGTACAAGAAGTTTAAAGGGAGACCAGAATTGAAAGGATTGCCTCATTTATAGGTCAGTCCATGGG  
GGGGAGCTGTTACTTTGAAAATTCATTGAAGGAACCAAAGCTATGGGATGGAGTGGTTCTTGTGGCTCCCAT  
GTGTAAAATTGCAAACGATGTGAAACTGCCAGAACCCGTGCTTAAGGTCTTAAATCTAATGTCTAATGTGGTG  
CCAAAAGCCAAGCTTCTCCCGAAGATCGATCTTGGTGAAGTCTCAGAGAAATGAAGAAAAGGAACTG  
GCAGTCTACAATGTTATATCGTATGACGACAGGATGAGAGTAAAACTGCCATAGAGCTTTTAAAGGCAACG  
GATGATATCGAGAAGCAAGTTGAGAAAGTTTCATCGCCGTTACTGGTTCTTCATGGAGCTGCCGACAAGGTGA  
CAGATCCTAAGATTAGTCGTTTTCTATATGAGAAAGCATCAAGCAAAGACAAAACCTGAAACTCTATGAGCA  
AGGCTTTCATTGCATCCTAGAAGGAGAACCAGATGAAAGAATTTCACTGTTCTTAATGATATCATCCATTGGC  
TAGATTTCCGATGCTCCTCAACGTAGTTCTCGACTAGTTGCACAGTGATATCCATCTATTGTTAAATAATAAGA  
ATGAGTTATATGTTTCAGAATTCGAATCTCCTATTTTAGTCGCTAAGTTTATTAGTTTTTGGTGCAGACATTTCA  
TATTGATTGTAATGTTGATTAA

>trans\_c\_512 XM\_002881641|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisomal membrane protein, mRNA

TCAATATCATTTGGGTAGAAAGTTAGAACAGAGGCAAAGTCGTACATGGATTTCTTCTCCGATTGAATTTGAG  
CTAGATCTCTTTCTTTTCACGTCAATGCTCCGGTTCGGGTGCATTTTCCCGGTGAACTAACACCGTTTTTTCCTT  
TCTTTCTATCTTCCACATACCCCTTTTTCTTCTTCTTCTTTGCTGTCTCTAATTGGGTTTTAGCTGGAAAGTA  
TGTCGGACGCGTTGATCAATGGATTGGCCGAGCTGGAGGAGGGATCATTGCTCAACTCATCACATACCCTCT  
TCAGACTGTGAATACTCGTCAGCAAACAGAGCGGATGTGAAGAAGGAGAAGAGAAAACCTTGGAACATTTCA  
ACAGATGTGTCAGGTTGTGAAACATGAAGGATGGGACCGGCTCTACGGTGGCTTGGGGCCGTCTCTGGTGG  
GTACGGCTGCATCTCAGGGCGTTTACTATTATTTCTACCAAATATTCAGGAACAAGGCTGAAGTTGCTTCACTT  
GAACGAATGAAGGCAGGGATTGGAGATGGATCTGTTGGGATGCTTTCCTCACTTCTGGTGGCTGCTATATCTG  
GGTGTGTTAATGTACTGTTGACAAATCCTATATGGGTGGTGTACTCGGATGCAGACACATAAAAAAGTCTC  
AAAGCCGTCTCTACCTGGTCGAGCGCTGACTCCACTAGATGAAACAATTCGCCGACAGCAGTTGTTGATCCT  
CCTTCTACGGAACCACTCATGCTATTCAAGAACTTTATGATGAAGCGGGAATCAAGGGTTTCTGGAAAGGGG  
TAATCCCAACAATGATCATGGTCAGCAACCCTTCTATACAATACATGCTGTATGAAACTTTGTTGAACAAGTTG  
AAAAAACCGACGTGCTTTACGGAAGGATGGGAGTGGAGTTACTGCATTGGAGATAACCTTTCCCTGATCACT  
AAAGTTCCCAACATTGCTACATTGCGACCACGGCCAGATTCTGTCTGTCCACAGTCCACACATAATAGATTTTCC  
AGTGTTCCATCACCACGTCAAGCTACATATTTGGCTACTTATGCAGATATTTTTTCTTGGTGCGGTTGCAAACT  
TGGAGCAACGGTAGTAACCTATCCTCTTTAGTTGTGAAGGCTAGGCTTCAAGCAAAACAAGCCGTAGCGGG  
AGACAAAAGACATCAGTATAAAGGCACATTGGACGCCATTCTCAAATGATCCGATACGAAGGACTGTATGG  
ATTTTACAAAGGGATGGGCACGAAAATCGTCCAGAGTGTTCTGGCTGCTGCTGTCTTGTTCGTGGGTAAGGAA  
GAACTCGTCCGAGGTGCTCGATTCTTTCTACAAGGGTCCCGTTGGCAGAATAAAATCAAAGCCTCAATGAT  
CTGATAAAATGCTTATATGACCC

>trans\_c\_513 NM\_127514|Arabidopsis thaliana EER5 (ENHANCED ETHYLENE RESPONSE 5) (EER5)  
mRNA, complete cds

CAGTACCGTAGAAGAAGCTTGAAGATTTGCTGCATAGAGGACGGCGGCAATGGCGTACCTGGGCATGGGAGA  
GGCTCATAGAAGAATCACTGAGTACTTGAATCGATTTTCGGACTCTGTTTCCTCTCAAGATGGAGTTTCTCTCA  
AATCTCTTCTCGCCCTCTCCTCCAATTCCTTCTCTCGCTCTCGCCGACTCTCTCAATGTTTTCCAGGATGC  
CAATAGATTGATCAGACAATCGGATAGATATTCTCAGTTTGGAGAAATGTTGGTGAATTTCTTTCGTGCGTTGC  
AGTGTTACCGTCTTGGGAATTTGGTGGATGCTTATCAAGCTTTGAAAAATTCGCCAACGCTTTCACTCAGGAA  
TTTCGGTCTTGGGATTGAGCTTGGGCGTTGGAAGCATTGTATGTAGTTGCTTACGAGATTAGGATCATAGCAG  
AGAGGGCTGACAGAGAGCTGGCTTCGAATGGAAAATCGCCGAAAAGTTGAAAGGAGCTGGCTCATTTCTCA  
TGAAAGTGTTTGGGGTTCTTGCCGAAAAGGCCCTAAACGTGTTGGAGCATTGTATGTCACTTGCCAGTTGTT  
CAAGATATACTTTAAGCTTGGTACTGTGCACCTGTGCCGTAGTGTGATAAGGAGCATTGAAACAGCTCGAATA  
TTTGACTTTGAGGAGTTTCTAAAAGAGACAGGGTGACCTACATGTATTATACAGGCCGTCTGGAAGTTTTCA  
ACGAGAATTTCCCTGCTGCTGATCAAAAGTTATCATACGCCTTGATGCATTGCAACCCTCAAAGAGAATCTAAT  
ATAAGGTTTGACTCAGAATGATATTAAGTATCTAATACCTGTGAAGCTTTCTATGGGGATATTACCTACCAAG  
TCGCTTCTTGAGAAGTACAACCTTTTTGAGTATGAAAATGTTGTGCAAGCTCTTAAAGAGGTGATCCTAGGCC  
TCTGCGACATGCTCTTCAAGAGCATGAAGATCAGTTCTTAAGATCAGGGGTGTATCTCGTCTTAGAGAAGTTG  
GAACTCCAAGTTTACCAAAGATTGGTGAAGAAAATATACTTTATACAAAGGCAAAAGGATCCAAACAAAGCTC  
ACCAAATCAAATTAGAAGTAATTGTAAAAGCTTTACAATGGTTGGAAGTAGACATGGACATCGATGAGGTAG  
AGTGCATCATGGCCATACTCATAAATAAGAGTCTGGTGAAGGTTACTTCGCTCACAAGAGCAAAGTTGCAGT  
GGTAAGCAAACAAGATCCTTTTCTCGACTCAATGGAAAACAGTTGGTTCATGAAACAATTTTTTTTTTTTTTG

AAGAAAAAGGTTGTTTCTATAGCCCCGCAGTTGTAAGAGTGTATCATTTGCTCTGACACCTAATCCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_514 AB442084|Glycine max mRNA for peroxisomal biogenesis factor 11 family protein,  
complete cds

GAAACGCGGGGTTAACGTCGTCACCTACCAACCAAACCATGCGCCATTTTGGAGGAGGAGAAGAAAAGACAAC  
GAATCGCTGACGCTTTCTACTTTCCACGAATACAATCAAATCCCAATCTCTCTTTCTTCAATTCAACAAGAATA  
AGGTGTTTAATAGATAAACATTGTGTTTCTCCTAATTGCAAACCTCCGAGGCTCTTTTTCTTCCATCTCTACCTT  
TCTCTATCATCGGATTCAACTGGGTTTGCTTGCTTGCCGCTTTCTTTTGCTCAAACGGACTCACTTGATTCTG  
GGTTTCTAATTAGGTGTGGGTAGCTTTAAAGATGAGTAAGCTGGATGCGACCAGAGCAGAACTTGCTCTTCT  
AGTTCTGTACTTGAATAAAGCAGAAGCCAGAGACAAAATATGTAGAGCTATACAGTATGGTTCCAAATTCCTG  
AGTAATGGTGAGCCTGGCACAGCACAAAATGTTGACAAAATACCAGCTTAGCTCGAAAAGTTTTTCGTCTTTT  
CAAGTTTGTCATGATCTGCATGGCCTTATTAGTCCAGTTCCTCAAGGAACTCCCCTTCCTTATTCTTCTGGG  
AAAGTCCAAAATGCTTGCTATCGACTTTTCTATTCTTGACCAAATTGTTGGCTTGGTAGAACAGGCATCTA  
CAAGAATAAGGAACGTACTGAACGTATTGGAAGGATTTCTCTGTTTTGTTGGTTGGGTGCTTCATTCTGCACG  
GTGTTAGTTGAGATTGGAGAGATCGCTAGGCTATCTGCTGCAATTAAGAAACAAGAGAAAGACCTTAAGGAT  
AAGAATATCAATCAACACCAAGTGTGTTATCATCAAGACGAGAAATACCGTGCAAATCTTAAAAAACAAATG  
AAAGGTCCCTGGCCCTGGTGAAAGCATCCATGGATTATTGGTTGCTGTTGGGCTACTTCAGTTGGCACCGAA  
GAAAGTTACACCCGTGTCACAGGTGCTCTCGGATTTGTTAGTTCACTGATCTCTTGCTATCAGTTGCTTCCTCC  
GGCATCGAAAGCAAAGGCATCATGAAGAAGGAAAGTGAAATCCAGGGGAGTAGAGGAATAAATAAGGAG  
TTGAATTTGTGTGTTTTTAAAGTAGTTTGAGGGGCGATTAGAAGGGGTAGGGTGACCCTGAAATGTTTGTTG  
GATGAAATAAGTATTAGATGCTTCAAATTCATTCATGTTATGTTAGCATGTTTTATTGACAATATGCCCGCT  
CTCTCTGCAGACTATTTCAATTTATTTTCCCATCACTACTCTACAAAATCCTCTCTGATGCATTAGATCGAG  
TGTGTTGGATACATAAATATTTTCAAATCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACGAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_515 EU308590|Gossypium hirsutum 24-sterol C-methyltransferase (SMT2-2) mRNA,  
complete cds

GGCTTTATATTCTTCACAAAACCTTCTCTCCCTTTCTCACACTACTAATGGATTCTCTCCCCTTATTCCTCACCG  
GGACTCTCCTCGCTGCCGGCCTTTACTGGTTCTTCTTCATCTATGGCTCCGCCGAACGCCAAGGCAAACCTTGCC  
GTCAACCTCTCCGGCGGCTCTATCTCCTCCGAGAAAATCCAAGACAAGTACAAACAATACTGGTCCTTCTTCCG  
CCGCCCTGAGAAGATTGAAACCACCGAAAAAGTCCCCGATTATGTCGATACCTTTTCAACTTAGTCACTGATA  
TTTACGAGTGGGGTTGGGGACAATCCTTCCACTTCGCACGTCCCATTCCTGGAAAGTCTTACAAAGAAGCCAC  
CCGTCTCCACGAAGAAATGGTCGCCGATCTAGTCAAAGCTAAACCCGGCGATCGGATCCTCGATGTCGGATGC  
GGCGTCGGTGGTCCGATGCGATCCATCGCTGCTCATTCAAAGCCAATGTAGTCGGAATCACGATCAACGATT  
ACCAAGTCCAACGTGCTAGATTACACAACAGAAAAGCTGGATTAGACTCGCTGTGTGAAGTGGTATGTGGAA  
ACTTCTTAGAAATGCCCTTTTCCGATGAAACCTTCAATGGGGCTTACGCTATTGAAGCAACGTGTCACGCGCCG  
AAGCTTGAAGATGTATACTCTGAAATTTACAGAGTGCTGAAACCCGGTTCGTTATTCGTATCGTTAGAATGGG  
TTTCTACCGATAAATACGATACCTCAAACCCAGAGCATGTGAAGATCATTGAAGAGATTGCAAGAGGGAATGC  
TTTACCTGGGGTCAAATCGTACAGTGACGTTGCGAAATCGGCGAAGAAAGTAGGTTTTGAGGTTTTGAAAGA  
GGAGGATCTGGCAAACCGCCGGCGCTGCCGTGGTGGGAGAGGTTGAAAATGGGGCGGGTTGCGTACTGGA  
GGAATCATATACTGGTGACGATTCTGGCTACGTTGAGAATCGCTCCGAAAGGAACTCTGGATGTTTCATGAAAT  
GTTGGTGGAAAGCAGCTGATTATTTGACTCGAAGCGGCGATGCTGGAATATTCTCGCCTATGCATTTGATCGTT  
TGCCGAAAACCGGAATCCCCTAAACTTGTTAGAAGAGTTGTCAATCAGGGCCTCTCCGGTACGGCGCTTTTC

>trans\_c\_516 U37060|Gossypium hirsutum ascorbate peroxidase mRNA, complete cds

>trans\_c\_517\_BT011963|Arabidopsis thaliana At3g53940 mRNA sequence

CTCTTTAAACGGATGTGAGATTAAGATCACACCCATTGTTCTCCAGCTTCCAGGACGGTTTTGAAAAAAATA  
TCTGCAAATGAATATGGAAGCTCGAGTTGGTGTAGTGGTCAAGGAGGACAGCAGGCTCTTAATTCTGCTCA  
CGCTCACGACGGCGGGGCCAGGAAATATTTTACCAACAAGGCCAGAACAAACCCTCCTTGAACCAGCAACC  
GCAGATTGGCACAGTGCAGCAGCTTTAGCCGGTGGTATTGCCGGTGCCTTTAGCAAGACATGTACCGCCCT  
CTTGCTCGCCTTACTATCCTCTTTCAGGTCCAAGGTATGCACTCTGATATTGCTTCAATGAAGAAAGCCAGCATT  
TGGCGTGAAGCTTCACGTATCATCAATGAAGAGGGATTCCGGGCATTTTGAAAGGCAATCTGGTCACAATAC  
TTCACCGACTACCTTATTCGTCTGTCAATTTCTATGCTTATGAACAATACAAGAAGTTTCTGCACTCATTGGTTA  
GGGAAAGATTCCAGGGCAATGCCAGCGCAGATCTTCTGTGCATTTTTTTGGTGGTGGTTGGCTGGAATAAC  
ATCTGCCTCTGTTACATACCCACTGGACCTCGTTAGAACCAGACTAGCAGCACAGACAAATACCATTTACTACA  
GAGGCATTTGGCATGCATTCCATACCATTTGCCGAGAAGAAGGTTTCTTAGGCATGTATAAAGGGCTTGGAGC  
AACCTTGTGGGTGTTGGACCAAGCATAGCCATCAGCTTTTCAGTGTATGAAAGCTTGAGATCATTCTGGCAAT  
CTCGAAGGCCTAACGACTCCTCTGTTATGGTCAGTCTTGCTTGCGGTAGTCTTTCAGGCATAGCATCATCAACA  
GTAACATTCCCTTTGGATCTTGTGAGAAGAAGAAAGCAATTGGAAGGTGCTGCCGGTCAGGCCCGTGTTTATA  
ACACTGGCCTATATGGAACATTTAAACACATTGTGAAGACAGAAGGTTTTAAAGGTTTGTACCGAGGGATTCT  
ACCGGAGTACTACAAGGTGTCCTCCAAGTGTAGGCATTGTCTTCATGACGTACGAGACTCTAAAAACAGTTCTA  
TCACAAATTTCTTCCCGTTTCATAGCTGCTCATAAACGTTGGATTCTTCCATTTAAGTGCTTATTTTGAGTCACTGT

ATTTATTTCCAGCTAGTAGTCGTAGACATAGGTTACTGGTGACTAGAATATCCTAGAGCGTCAATTCTTTTTCC  
TTTTATCCTTTAGAAATTTTGTGGCAGTAAATTTTTGCTCGTACTGCCAGGAAGTATTTTTATCTTGAC  
AGGAAAAGTTTAAACCAATGACATTCCGGATACCATTTAAAGCTTGAAGAGCTACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_518 AB428380|Rosa hybrid cultivar RhXTH3 mRNA for xyloglucan  
endotransglucosylase/hydrolase, complete cds

GATCCTTTCATTCAATCACAAATGGCTTCCCCTATTATGTTTCTCACTCTTCTTTCTCTGCAGCTTCCCTAATTGC  
CATCTCTTCGGCTAACTTCAACCAAGATTTCAAATCACTGGGGAGATGGTCGAGCCAAGATTCTCAACAATG  
GTGAACTTCTAACTCTGCCCTTGACAAGGCCTCTGGCTCTGGCTCCAGTCTCAAACGAATACTTGTTTGA  
AAGATCGATATGCAACTCAAGCTTGTGGCTGGCAATTCTGCTGGCACTGTCACTGCTTATTATTTGTCTTCTAA  
AGGATCTACATGGGATGAGATTGACTTTGAGTCTTGGGGAATTTGACTGGTGATCCTTACACTCTTCATACCA  
ATGTGTTTAGCCAAGGCAAAGGCAATAGAGAACAACAGTTCATCTTTGGTTTGACCCACTGCTGATTTCCAC  
ACCTATTCCATTCTTTGGAACCCCAATCGTATTATATTTCTGTGGACGGAACCTCCGATAAGAGAATTCAAGAA  
CTGGAATCGAACGGCGTGCCATTTCCAAGGACCAGCCAATGAGAATATACTCGAGCTTATGGAACGCGGA  
CGATTGGGCAACGAGAGGAGGGCTGGTGAAGACGGACCGGACAAAGGCTCCTTCACTGCTTCCTACAAAA  
CTTCAAAGCCGAAGCCTGCGTTTTATCCGGGGGGCAATCTTCTGCAGCCCCTCGGCGCCGGCGGGGTCAAG  
GAACTCATGGCTGTCCGAAGAGATGGACTCTGTAAGTCAGGAGAGACTAAAATGGGTGCAAAAGAACTATAT  
GATTTACAATATTGTACGGACACCAAGAGGTTTCTCAGGGCCTCCCTACAGAATGCAAGTTACCATAGTCAT  
AGGGACCAACAACAACACAGGGCTACACTACTCTTCTATTATTTTGCCTTTTTGGGTTTCTCTACATTTTATTT  
TATTGATTTTTTTTTCTTTGGTTATGACTTTATGTAATGTAATGTGTGTTTGGTATGATTTATTTATATATATA  
ACTAAGTTTCTCTAGTTAGTTTAATGAAGGTGGTGTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACC  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTTTCAACCCCCCCCCCCCCG  
GGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCTCCCCCAAGGGGGGTAAAAATCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTTAAACC  
CGCGGGGGGGGAAAACCCCGGGGTCCCCCATTTTTTCCCCTTGGAACCAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGG  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_519 AF095730|Glycine max retroelement diaspora gag-pol polyprotein (gag-pol)  
pseudogene, partial sequence

AGAGAAAGAAAAGAAGAGAACCTCAACAACGAAAGTTCATATTGGTGATGCTTTCTAAAATCAATCTGATTTG  
AATGTTTACAAGCCTGTAGCTCCCTTTCCAGAAAGACTTCTCGGTTCTGTGAGAAGAACTGAAAAAAAAAAGA  
AAAAAACTAAAAACCTTGGGAGCAGTAAGTGCTAGCTTATCTGAAAAGGGCTCAGAGTAGTGGGTGAGAAA  
TAATGAATTGATTACGGTGGAAAAGAAATCTTGCTTGTAACAGGTACCTTTCCAGTTAAATACGATGATCCAT  
GTATGTTTTACGCATTGCAACGTGGGTAATGGTAAGTTAGTTAATGCCTTTGACCGACTTAGGTGCTTCAGTGA  
ATATCATGTCAGTTTCTCTTTTATGAGCTTAGACTGTAAATTTGTCTACTTCTGGAATTGTTGTGCAATTGG  
CTGAACGGTAGTCTTACTAAACCATTAGGGGTTGTGAAGGACGTGTCTGTGAATGTTGATGGTATAATCTTAC  
CCACCGAATTTTATGTTCTGAATTGTAATCAAAACACTTCTCTCATGGAACCTCTGTTATATATATTAGGTTGA  
CCTTCCATAAAACTACTAGAGCTAAGATTGATGTAGGAGAAGGGTCTCTATCTGTGGAGTTCGATGGGATAA  
TTAAAGCTTCCCTGTTCAAGGATGATAGTGCTTTCCTTAACCCCTTTGCTTCTAATATTGATTTTGCCTCAAGTTG  
ATGGTGAGGCAAGGATTTTAATGATGGATGGAAGGGAGGACCAATCAACTCCGAGCCAGGTTGATCAAGC  
AAAATACGGTTGAAACCTTAAGTAAGTTAGGCGTTTAATGGCTTATATGGGAAAATTTTCTTGCAGTGATGTA  
TCTTTTAGGCTGAAGCTCGATGCATGCTCAACTCTTTTTAGCACTCCTAACTCAGGGGAGTTTCTTTATTCC  
CCTTAATCTTTCCCACTCTTGATTTTTACTTTTATACATTGGGAACGAGGTATGTTTTGAAAGTTGGGGTGG

TTGGGTTTAGCTTGCATATCTGGTGGTCCTTAAGCATTTTCAGCTCGAACTTGTGTGCTTTGCTTGCTTTTTTGT  
TTGTTGCTTGTGCTCGTTATTAAGACTGTTGATGATACTCATTTAGGATCTTGCATGTATGATGGTTGTTGTCAC  
CCGAAAGACCTTCTAAACATCAATTTATTAATGCGTGCATAAGGAACTAACTAACAAATTTTCCACTTGTCTG  
GAAAAAGAAAAGAAGAAAAAGGGAAGAGAGAGAGAGAGAAAAAAGAAAGCAATAAAAGTGATTAATAA  
AAAAAGGAGTGTGAGAGAATAAATGGTGGTTTGTCTGCTTTGTTGGGGATGAATTGAGTAGATATAATTCTC  
GTAGCGCCGCT

>trans\_c\_520 HM122462|Malus x domestica BZIP domain class transcription factor (BZIP1) mRNA,  
complete cds

AACATGAAAAGAAATTGTCATCGTTGCAGAGTCAGGAATACAAGGGGGAGGATGAAAGCAAGCTAGATAAG  
ACGAAAGCTGCTATACTAGACTGCAGTCACTAATTATTGTACATCCCAAGCTGTCAATACAACCTTCTACTGC  
CATAGTTGGACTAAGAAATTCGGATCTCATTCTCAGCTTGTGAACTTTGCCATGGGCTAATGTACATGTGGA  
GATCAATGCACCAATACCATGACATCCAGAATAACATTGTGCAACAGGTTGAGGTCTTGTTAACCAACAAG  
TCACGGTGACTCAACTTCTGAATTGCACCGTCAGGCAACCCGTGATCTCGAATCCATGGTCACAGCTTGGCACT  
CCAGTTTTTGTGCTTGATTAAGTTCCATCGTGACTTTATCCGATCCCTCCACGGTTGGCTTAACTCTCCTACA  
TTCCAGTCAACAACGACGGCTTACCTGACAACAAGGAACCTGCTGAGATATTTCTTGATCAGTGGAAGCTTGC  
TCTGGATCGTGTCCCTGACACGGTTGCTCCGTGGCGATCAAAAGTTTCATCAATGTTGTTAATGTGATATCTG  
CAAAACAACTGAAGAGATTAAGATTAAAAAACGAACCGAATCAGCATCAAAGGAGTTTGAGAAAAAATCTG  
CATCAATCATGAACCTAGAGAAAAAGTTTTACAACCTTACTCCATGGTTGGCATAGGACTTCCAGACACTGGA  
CCGGCCGACAATGGCCATATATTAGATGCTCGGGATCCTCTAGCCGAGAAAAAATCGAGCTCGTCGCTTGCC  
AAAGACGAGTCGAAGAGGAGAAGATAAAGCATTCCAAAGCAGTAGAAGTTACAAGAGCAATGACACTTAAA  
AATCTTCAAACCTGGATTGCCTGGGGTTTTCCAAGCCCTGACTAGCTTCTCGGCCTTGTTACGGAGGCGCTCGA  
GTCGGTTTGTACTCACTCCTATTCTATCAAATAGACACTATGTTCCCCCATGTGGTCTTTCCTTTTTCTTTTT  
GGTTGCAGAAAGAATGGAGTTGGGTTGGGACAAGGCTGGAGGAATTTCTTTAGATGAGGGGAGAAGGATA  
TTATCCTTATTGGTAAGTAATTATAGTAATACATTTTGGGGAATTTTATTAATCTGTAAATATTTGGAATTTTG  
CACTCTGATCCTTTAAATTTTTATTTTCTTTTCTTTTCCCCATTGTTTGTGGGGGTTAAACAAAAAATATT  
GCCTGTATAGGAAATTGCTTGATTGTTGTATCAAATTCACATTTTCAGCCATATTAATAAATACAAAGCATCTT  
GCTTTTCTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_521 NM\_001050904|Oryza sativa Japonica Group Os01g0769000 (Os01g0769000)  
mRNA, complete cds

CATCAGGGTTATGAGACCAATAGTTTTAGGAATGAATTTGGGTGGCCTTCTATAGATCCAAGTATATGACAG  
CTGATGAATTAGAGAATATTGTTAGAATGCAGCTCGCAGCAACACATAGTAACGATCCATATGTAGATGACTA  
CTATCACCAGGCTTGTCTTTCAAGGAAATCTGCAGGTGCAAAATTGAGGCATCATTTTTGTCCTAATCAACTAA  
GGGATCTTCCACCACGTGCCGGGCCAATAATGAGCCACATGCTTTCCTTCAGGTTGAAGCACTTGGTAGGGT  
TCCATTTTCATCAATTCGTAGACCTCGACCTCTTCTGGAAGTTGATCCACCAAGTTCATCTGTTGGTGGAAGCG  
CTGATCAAAAGGTTTCTGAGAAGCCCCTGAACAGGAGCCTATGCTGGCAGCTAGAGTTACAATTGAGGATG  
GTCATTGTCTACTTCTTGATGTGGATGATATTGATCGTTTCCTGCAATTCAATCAGTTCCAAGACGGTGGCGCT  
CAATTAAGGACGTGCGCCAGGTCTTGTGGAGGACTGGCATCATTTTACATCATTGATCCAATCAGTAA  
AGATGGTCATGCTGTTGGGCTGGCTCCTAAAGATGATTTTGTCTTCTGAGGTTGGTTTCTTCTTCCCAAGGGTC  
TAAAGCTTCTAACGAAGTACCTTAAGCTGCTTGTGCCAGGAGGTGAGCTTATGCGCATAGTTTGTATGGCCAT  
TTCCGTCCTTAAGATTCTTGTGGTAGTGTTCTTCTGATCCCGCATCAGCAGACTCCGTTAGTGAACCTTGC  
AAGAATTGTTTCATTGCGAATCTATTCTATGGATCTTGGAGCTATAAGTGCATGTCTTGCTGCCGTAGTTTGTTC

CCCAGAGCAACCTCCACTTCGCCCTCTGGGGTCCCCTGCTGGAGATGGCGCGTCCTTGATTTTGAAATCTTGTC  
TCGAGAGAGCTACACTACTCTTAACCGATCCTAATGCTGCGTGCAACTATAACCTTACCCACCGATCTCTCTGG  
CAGGCTTCTTTTGATGATTTTTTCAACATTCTTACAAAGTATTGTGTGAACAAGTATGACACTATCATGCAATCA  
CTAGTCAGACACTCTCCACAGAATGCAGCAGCAGCAGCCTCAGATGCTGCTGCTGCCATGAGTCGAGAAATGC  
CAGTTGAAGTATTACGTGCAAGTCTGCCCCACACCGATGGTTACCAGAAGAAAATGTTGTTAAATTTTGCCCA  
ACGCTCGATGCCTGTTGGTGGATTACCAACAGTGTGGCCGAGCAAAGTGTGACCGAGCTCAGTGGCGGTGA  
TAGCGACACCTTATGATCAGGAGGAGTAAGAGCACGTGGCTCTTTATACAATCACAATGAAGAAGCCTGCAA  
AATAATCTCATCGT

>trans\_c\_522 NM\_179846|Arabidopsis thaliana CNX2 (COFACTOR OF NITRATE REDUCTASE AND  
XANTHINE DEHYDROGENASE 2); catalytic (CNX2) mRNA, complete cds

AAGGAATCGAACCGAAATGAGCGGTCGATCACGTCGGTTTCCGTCGTCCTTCTCCGGCTCAGCTTCCGGATTC  
AATTGAATCACCATCGTCTTCTTTAACCTCCTAATCGGAAGAATACTGCTACAGATTCCATTATCTTCTCTTCT  
GGCCATTTCTATCTGTTTCCTTTTCATACATACTCGTTGTTGATGGCTTTGGCGACTAATATGAGAAGAAATGCA  
TGCTCGTCACCAATTGGCTCGTAGCGTCTGGAAAATTAAATTTCTATCGGTGGGATCTGAACATGCATCTTA  
CTCCATCATCAGAAAACTAATGGTCTTAGAATCTTTGGGGATCAACGGGAGGCTTCAAGAACGTATGCTACT  
TCTTGTGCTAAGCTGTGCGATGAAATCCAGAAAGAGAATTCAGACTCTAATATGTTGGTTGATTCAATTTGGAA  
GGATGCACACTTACTTAAGGATATCATTGACAGAACGGTGCAACTTGCGATGTCAGTACTGTATGCCTGCAGA  
AGGTGTAGACCTCACTTCCACCCCGAAGCTTCTTACTCGGAATGAAATTATGCGATTGGCTAATCTTTTTGTAA  
GCTCTGGTGTAAATAAAATTCGCTTGACTGGTGGGGAGCCTACCATTAGGAAAGATATTGAGGATATATGTTT  
AGAGCTGTCTAATTTAAAAGGTTTGAAGACATTGGCTATGACCACGAATGGAATAGTTCTTGCAAGAAAATCTT  
CCCAAGCTTAAAGAATGTGGGCTTTTCAGCTATTAATATTAGTTTGGATACATTGGTGCCAGCAAAGTTTGAATT  
CATGACCCGCGCAAGGGGCATGAAAAGGTTATGGAATCTATCAATGCTGCAGTAGACCTTGGTTACAATCCT  
GTTAAAGTGAACGTGTTTATAATGCGTGGCTTCAATGATGATGAGATTTGCAATTTTGTGAGTTGACTCGTGA  
GAAACCAATTAATATTCGATTCAATTGAGTTTATGCCCTTTGATGGAAATGTTTGAATGTTAAGAAACTGGTAC  
CCTACTCAGAAATTTTGCAAACAGTGGTAAGACTAAAACTTCGTGAACCTCACACGACTGGGAGATCATCCT  
ACAGAGACAGCAAAAAATTTTCAGGATAGATGGGCACCGAGGTACAGTTTCGTTTATCACATCAATGACAGAG  
CATTTTTGTGCTGGTTGCGACAGATTGCGACTTTTAGCAGATGGAAACTTCAAAGTCTGCTTGTGTTGGTCCCTC  
GGAGGTTAGCTTGAGAGACCCACTTCGTCAAGGTGCTGATGATAACGAGCTAAGGGAAATAATTCATGCAGC  
GGTAAGAAGAAAGAAAGCTTCACATGCCGGAATGTTGATATTGCAAAGACTGCAAACAGACCCATGATACA  
TATTGGTGGCTAGTCT

>trans\_c\_523 AY004241|Glycine max phosphoglycerate mutase-like protein (PGM) mRNA,  
complete cds

TACACGACTCTCTTCGCTTCCTTCTTCTCTGAGAGCCTCTTCGCGATCTTCTTCTCTCTATTCTTTGCTCTTTT  
CTCGCTCTTCGGATATGGACGGTTCGGCAGGTCTAGGTTTGTATCCATCGCACCGTACTAAAATATTCATTTG  
GTGAGGCATGCCAGGGATTTTATAATGTGGCAGGAGAAAAGGACGTGAACGAATATCTATCTTTTGATTACT  
TTGATGCTCAACTTACTTCATTAGGATGGAAACAGGTTGACAATTTGCGGAAACATGTACAATCATGTGGACTT  
TCCAAGAGAATTGAGTTAGTCATCACATACCGTTGTTTCAGGACTATGGAAACCGCAGTTGGAACATTCGGTG  
GTGAAGGTTACTCGGATGGTATAAATGTTCTCCATTAATGATAGAAAATGCAGGAGATTGCAACCGCCCAGC  
AATTTCAAGTTTGAATTGCCACCATTTTTGGCCGTAGAGCTTTGTCGGGAACATTTGGGCGTTTCATCCATGTG  
ACAAGAGGCGAAGTATTAACGAGTACCGGTCTCTTTCCCTGCTATTGATTTTTCACTGATTGAACACGATGAA  
GATATCCTGTGGAAGCCTGACATCAGAGAAACCAACGCTGAAGTTGCAGAAAGGGGAATGAAATTTCTTAAA  
TGGCTCTGGACCAGGAAGGAGAAGGAGATTGCAGTTGTTAGCCACAGCGGATTCTTATTTTCATGCATTGAGT



GCATTTGGAAAGGACTGCCATCCATCTATAAAGGATGAAATCTGCAAACATTTTGCCAATTGTGAGCTACGTTCC  
CTTTGTTCTTGTTGATAGGAGCATGATTGGGTGAGAATCCTCGGCGACCAATTTTCCGGGCGGAGTACCAAAA  
GGAGTTGATCTTCTAGTGATGTTGCAGCTGACAAGCTTCCGGGGAAGGGATTTTCAATTGATCAAGATGTGG  
TTTGAAGAAGAAGATATCGCATTGCATCATTTCTAGAAACAAAGACTTATCGTTTTTTTTTCTTTCTCCCTAGGG  
GAGAGCTTTGTTGCTATAACAAAGTTTCTCGTAATTCAATATTCATGAATTTCTTTTACTCACGACATTTAGGAG  
AACCGTTGTCTATGGAGATTGTTAAAGCCTCTTTATGCAAAATGGTTTAGAGGTACATGTTTTGTCTGTATCTC  
ATCCATTAGTTGCCTTGACGCCCCAATTTTATACCATTTGTTATATGATAATATGAAAGAATCCTTTTTCTNAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGACCTCGACAATCTAAAAGATACCGT  
AAACCTCAAAGCTCGGGGGGGGGCCCGATTCCCCCTTACCCAATCGTGTTACGCATTCCCCCTGCTCACTGTT  
TTACATTTT

>trans\_c\_524 NM\_120809|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT5G07270) mRNA,  
complete cds

TGATGTGAATTCAGGAATTACTGTGGCCAGACAGCAGTGATGCAAGCTTGTCGATATGGGCACTGGGAAGT  
TGTACAAACTCTTCTAGTTTTTCTAGATGCAATGTAATGAGAGCAGACTACCTCAGTGGTCGGACTGCTCTCCATT  
TTGCTGCCGTAAATGGTCACGTGAGATGTCTAAGACTTATTGTGGCCGACTTTGTTTCTAGTGTTCCCTATGAG  
GCTATTAATAGTCAGTCAGTCATCAGCAGAAGTGATGGTGTAATGTGAAGAACAAATGCGAACAAAGGTGCC  
TCGTCCAAGTTTATAAATAAGGCAGCTGATGGCGGCATTACTGCTCTTCATATGGCTGCATTAAATGGATATTA  
TGACTGTGTGCATCTTCTTCTTGACCTACATGCTAATGTTTCTGTGGTAACATTTTATTACGGGACCTCTATGGA  
TTTGATAGGAGCTGGAAGCACTCCATTGCATTATGCAGCTTGTGGGGGTAAGTGAAGTGCTGTCAGATTCTC  
CTTGCAAGAGGTGCCTCGCGGATGACTTTAAATTGCAATGGGTGGCTTCCGTTAGATGTAGCCAGAATGTGG  
GGACGCCACTGGCTTGAACCTCTGCTAGCTCCCAATTCTGACTCTATATTACCGAGATTCCCCACTTCCAACCAC  
CTATCCTTGCCTCTACTGAGTGCATTAAACATTGCCAGAGAATGCGGTTTTAAATCCATGGGAGCAACCTCCGA  
CGATGGGGATACCTGTGCTGTCTGTCTGGAGAGAGTATGTTCCGTGGCAGCAGAGGGATGTGGGCATGAGCT  
TTGTGTGAGATGTGCACTCTATCTTTGTTTCGACCCAGCAATATCCATTCGGAAATGATTAGGCTCATTGGGCTC  
TATTCCGTGTCCACTTTGCAGACACGGTATTATATCTTTTCGTAAATTGTCAAGTGCTACCGCAAAAGAAAAAC  
AACTTCATCTGTCTCTTAGCATATGCAGCCCATGCATTCTTCATACCGGCGATGCCGAAGATCAAGCTTCAACTT  
GTACATCAGAGATCCGTAAGAACCGTGTGGCTTCAGTTTCTTCAGATGTATTTGTCCAGTAAGTGCAGCCCA  
TTCCCTTCTTCTGCTATTCTTTGTGTACATGCAATGACGGTCCATGCCCGACTTTCGAGTCCCGAGACGTTGGA  
ACAGAAGATGAATCACCCCGTCAATCACAAACAACCCCTATAGACCAGGACAAATTGGGAGGTCCAAGGTCA  
GAAAGAAGTCTGTTCAAGCATGTTTTGGGGCAGGAGAAGCTGTAGCAGGGAGAATCAATGCAATTCAGA  
GATAACGCTTGACATGTCTGCTTGGTATCAGGTCCGTCTCGACGAGACTTGAGAATTTATAGTAACAAC  
GATCCTGAAAGTTCC

>trans\_c\_525 FJ032298|Baccaurea ramiflora genomic sequence

AAAATCGATCTTTTGGTAAAAACAAAATTGAAACAATGTAGAGGTTTTCTTTTCTCGGTGATGATGAAAAAAT  
GATGACGAGTCCGATCTCTAATCCATTCACCCCTGACGACAAAACGAGGCATTTGTCTGAGAGAAATCAAACC  
TCTTTTCTCGTGTTTTTCTTCGTTTTCTCAATATTTTGTCCGCTATTTTGTCTCGCAATAATATATTCTTTACGA  
TTATGAAGGATCTTCTGCATGAAAACCTCTGAAGGAAGATTGAAATACTAGTTAGGAGTGGAATAGGGACTCT  
GGATAACAGTGTGAGTAATCAACATAACTTCATGAAGAATAGTGTATTAACTAAATAATCTTTTCAAGACGC  
TAATTAATTTACAAAACGAGTCTTTGCCTATCGTTTTGTTGAGCCATTTTCTCAAATTTGGGCCTTCGGCCCA  
CTATGAGAAGGGCAATTTCTGCTTTCAAAGAATCAGGAGGATTAGCCCTAAGCTTTATTCTCCACCTATAAATA  
TGAAATATCTGAGCCTGAAACGAAGGAGAAATAATCTCACCGTCTTCGTCGTTTCATATTTTTATTTTAATT  
TTAATTTAAGTTTGTAATTATTCAGTTATGTGGAGGTGGTTTTCTCTGTGATGATGAAAAACGATGACGAGTCT

GATCTCTAATCCATTACCCCTTGATGACAAAACGAGGCATTTGTCTGAGAGAAATCAACACCCCTTTTTCTATC  
GTTTTTTTTCTTTGCGATATTTTTTAGGGTTTTGAGGTTTTGGATGAACGCTTTTCTTACCTTTGCAATATATA  
CTCTTCGTTATATATGAACAAGTGCGGCGATGATGAGAAAGTAGACTCAGATTCAATCGAACTGAGATTGT  
TTCTGTGATTATTTTCAAGCACTTTGAGCCGTTTCTGATATTTAATTTCCGTAAAGACTTGGTCTTTTGAGTT  
GATAAGTTACGCGACGCCTATTTTTGTTATTTTTGGCGATATTACAAATTTGTTCTTTTTTTTTTTTTTAATTATT  
GGGTTTCTTTGGTGTGGATTGGCTGATGAAAAGTCTTTCTTTTACCAAGTTGTTAGTCTTCAGGTTGAGACCT  
TGTGGTTACAGAAGTTGGTAACAGAACTTTTTTACGTATTATAGCTGAGAAGTGCTTTGTAAAGAGTAGGTCC  
ATGAGATCACCGTACGAGATTTTAGCTTGGAAATGGCATTGTAGAGAGGAGCATTGTGAATTGCGGAAATGAT  
TCTACTGTAATTCGTTGTTCAATTGGTGGGGCTGTAAATTCGTGTTCTTTCTTCTCATGTCTAGTATATAACAT  
TTTGAAATTCAAACCACTAATGCCTATTGCACTGTGTTTATAAGCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_526 BT004617|Arabidopsis thaliana At2g36290 gene, complete cds

TTCTTGAGTCTCTCTGTTTTTCCACGCTCTCACTTTACTTTTCTTCTCAGATCTTCCCTTCCATTGATCTCTACGAAATTCA  
GGGCGAGGTCTGATCTGTAGATAGCGGAGGGCTCTAATGGCGGGAGGTGTGAGCCGGAAGATATCGGCAGC  
ATCGGCCAGAGCTCATACGAGAAGAGCTAAGAAGAGCAGTTCTTCCCCGATTTCTTCAGGACTGCTGAGGAAT  
ATAGCAGTTCTGCTCTTTTTTGGATTTTTGGCCTGGGGTTATCAGGCAATCCAGCCTCCTGCACCCAAAATATG  
TGGTTCTCCCGAGGGTCTCCTATCACAGCACCAAGAATAAACTTAGAGATGGTAGGTATTTGGCGTACAAG  
GAGCAAGGGGTCCCAAAAGATTCGGCTAAATACAAAATTATCTATGTCCATAGCTTTGTTCTTGCAGACACG  
ATGTCGCTATTGCAATACCATCTCTCCGGACATAATTGATAACTTGGGAATCTACATTCTATCATTTGACAAAT  
CTGGTTATGGAGAAAGTGATCCAAATCCAAATCGTACTCCAAAAACCATTGCTTATGATATAGAGGAGCTAGC  
TGATCAATTGGAGCTAGGATCCAAATTCTATGTTGTTGGATTTCCATGGGTGGCCAAGCAGTTTGGAGCTGT  
CTAAAATATATTCTAATAGGCTAGCAGGAGCAGCACTATTAGCGCCAGTTGTTAACTACTGGTGGCCTGGAT  
TCCCTGCAAACTTAACGAATGAAGCCTTCTACCAACAGTTTCGGCAGGATCAGTGGACAGTTCGTGTTGCTCAT  
TACACCCCTGGCTTACCTACTGGTGGAATACACAAAATGGTTTCCTTCTTCTAGTGTGTTGCTGCTAATCCT  
GAAATTCTATCTCGTCAAGACAAAGAACTCTGTCCAAGAAAGTGGGAAGGAATGAGTGTGAGCTTATATTTA  
GCCAACAAGGAGAATACGAGTCCATTACAAGGATGCGAACGTTGGATTTGGGAAGTGGGAATTTAGTCCTC  
TGGATCTTGAAAACCCATTCCCAGGTAATGAAGGTTCTGTCCATTTATGGCATGGAGATGAAGACAAGATCGT  
TCCTGTCACTCTCTACGTTACATTGCCAACAGCTTCCGTGGATTCAATTATCACGAGATAGCAGGTGCTGGTC  
ATAGCTTTCCCTATGCTGATGGCATGTCTGAATCCATCATTAAAACCTTCTCCTTAACCACAAATAAGGGTTTT  
TATTACCATCTTCTATTCTTCTAGGTTGGTGTTCTTCGTTACTCCATTTATGTCTCTTCTTCTGCTACATTATAT  
TTATAACTTTGTCTTCATTGGCTGTTTGAAGTTTTACCTCATTTTGATAGCACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_527 XM\_002301571|Populus trichocarpa ebs-bah-phd domain-containing protein  
(EBP904), mRNA

ATTCCAACAAAATCCCCATTTCCATTTTCTCTCTCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCGTCA  
GTCTTCACCTTCTTCTTTAGGGTTTCTGGGACTTATACACTATCAGTCTCACAACCTTTCTTAATTTCTCGATTTG  
GGCCTAATTATCCCAATCCATGATCCCAATCTAACATCTTTTCCAACCTCGCATTCTCCTTCAGAGTTTGCTTTGCT  
TAGTCTCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGTAAGTCTGCTATAACTCGGATAGTATCATAGATTATTAGGAGG  
AATAATTCATGGCCAAGACTAAACCTGGGAAGAAAGATCTTGATTACATACACCATCAAAGGCACCAACAAAAT  
TGTTGACCTGGTGACTGTGTGCTAATGCGACCGTCGGACTCTGATAAGCCTCCATACGTTGCTCGAGTTGAA  
AAAATTGAAGCTGATCATCGGAACAATGTAAAGGTTGAGTTCGGTGGTATTATCGGCCCCGAAGAATCAATTG  
GAGTTCGGAGGCAGTTCCATGGGGCAAAGGAGCTTTTTCTCTCCGACCATTTTGATGTTTCAAGTGTCTCACAC  
GATAGAGGGCAAATGCACGGTGCACTCTTTAAAAATTATACCAACTTGAGAATGTTGGTGCGGAGGATTAC

TTTTGCAGATTCGAGTACAAGGCTGCCACTGGCGGATTCACACCAGACCGTGTAGCTGTGTACTGTAAATGTG  
AGATGCCATACAACCCCGATGACCTTATGGTTCAGTGTGAGGGATGCAAAGATTGGTTTCATCCATCATGCAT  
GGGAATGACCATTGAAGAAGCGAAGAAGTTGGATCACTTTTGTGTTTCAGATTGTTCTCGGAAAATGAAGCT  
AAGAGGTCCTTGAATGCATTTCCAGTATCACCTTCTGCTGAGGCTAAGGTGGAGCCAAAGCGCAGGAAGAGA  
TGATGGGCTGATCAGGATTCATGGAAGTGACAAGGAGGTGCGATTCCTGGGCCTTTTGTCTGTTAATGTT  
GACGTGGAAATGTACAGCGAAGATAAGATATTGTGCTCGCACAAACCAGAGGTTTTTTTTTCTTCAAAAAC  
TACAGTGTTCAAAAATACATTTACGTGTGCTAAACCTGTGGGGTCAATATTGTGATCTCAGATCTGTGTTGTAG  
TCGTGGGTACACGATGCAAAAACGGCGGTTATTTTTCTAAGCGCGTAACTTAAGAAAACATTTGCACGGAAA  
TAGAAAGACTAGGACAGAAGTGTGGAATGTTGTAATTTGCTTGGCTCTGGCTTTTTTTAAGATTGTATTGAA  
CTGTTCCGAGCCCCCTTTTATTATGATTTTTTTTAGTCTCTTTTCGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_528 X97853|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB1A

AGCAACGAATAGTATGTTAATACTTACTCCCACTTTCTCACCTTCGCTTTCGTTCTAAGATTCCCACACAAATC  
CAACGACACACATTCATTTTTTCCCATTTTCGATTCAAGCCATGAGCAACGAATATGATTATTTGTTCAAGCTCTT  
GCTAATCGGCGACTCTCCGTTCGGAATCTTGCCTTCTCTCAGATTTGCGGATGATTCTTATGTGGATAGCT  
ATATAAGTACAATTGGAGTTGATTTCAAAATCAGAACTGTGGAAGTGGATGGAAAGACCATTAAAGCTCCAGAT  
TTGGGACACTGCTGGTCAGGAGAGATTCAGGACTATAACAAGTAGCTATTACAGAGGTGCACATGGAATAAT  
TATTGTTTATGATGTTACTGAAATGGAGAGCTTTAACAACATCAAGCAATGGCTGAATGAGATTGATAGATAT  
GCTAATGATAGTGTATGCAAGCTTTTAGTAGGAAATAAGTGTGATTTAGTTGAGAACAAGTTGTTGACACGC  
AGACAGCGAAGGCATTTGCAGAAGAGCTCGGAATCCCTTTCTAGAAACGAGTGCAAAAGACTCGATCAACG  
TGGAGCAAGCTTTCTTAAGTATGGCTGCTGAAATAAAGAAAAAATGGGGAGCCAGCCAACTTCGTCCAAGTC  
GTCAGGAAATGTGCAATGAAGGGGCAGCCAATTCAACAAAAGAGCAGCTGTTGCAGTTGAGCATTACTCT  
CACGCCTTATTATATAATGGTATAATCTAAGTTAACAAGTTTCTTAAGAAGATGAAATTGTGTTTACTTTGTGTT  
GGCTCAAGGATCTCTATGTAATTGTGAATTATCCCCGTTTGAATCCTTGTGTGTATAAATGCTTTGTGACAGTT  
ACCTTTGGATACTCTCTCCCTCTCCTAATCAACCTATATGCTAAAGTTTGGAGAGAATTATATCAGTGTAGT  
TTGGAGTAAAGAAAATATTCCACAACATTATAGTTGTAAAGGGTAGGGAGGAGAATGGCCATTACTTTTTCT  
TTATTCATTGAGTATAGTTTCATTATGTCAAATGTTAATTCTGGGACACGTCCAAGCCACATCACTGTTGCTCGA  
TTAGGCACGCCTTCTTAGAGTTCATAAATCATGTCTAGCCTGAGGATCGTTGAGCTCAGATGTTATCGACTT  
GTGATATGGGGCAGTCCTTTCCTTAACGCCACCATGACAATTGATTTTAATTTATGGACCTGTCATCTTGA  
ATCTTTTTAACTATTTAAATTGGAGGTACGGACCTTTTGCCTATCCTTCATTACAAGCTCGTGGATGAAGCTTT  
TGGATTAAATTGAGAAGGTTTGTATATAATGTTTTAATAGGGAACGGTTACACGTATATGAATATAGTACTAA  
AGTTCAAA

>trans\_c\_529 NM\_111065|Arabidopsis thaliana ACR6; amino acid binding (ACR6) mRNA, complete  
cds

CAAGAAGTGATAAACGCCATTCAAATGAGGCTTGAAGTTGATGCAAGTTTCGTGCCATCATTAAGGGAGTCG  
GTCGGTGTGATGCCCTCCGAAGATCACACCTCAATTGAGCTGTCTGGTACTGACAGGCCTGGTTTATTGTCTG  
AAGTTTGTGCCGTTCTTTCGGACCTTCACTGTAATGTAGTAAATGCTGATGTTTGGACACACAATAATAGGGCT  
GCAGCTGTAGTACATGTGACAGATGATGCCACTGGCAGAGCGATCAACGATCCCCAGAGGCTCTTAACAATC  
AAAGAGTTATTGTGCAATGTTCTTAGAGGGAATGGCGAGTTAAAGGAAGCTAAAATGACCCTTTCTCCTCTG  
GGGTCACCAGTACAGACAGAAGGCTGCATCAGATCATGCTGGCTGATAGAGATTATGAAAGGGCTGTTAAAA  
CCAAGCTTGAGGTTGAAGATAAGAACTTGAGACCTCATGTTACTGTCTTGATTGCTCTGAGAAGGATTATAC  
TGTGATTACTACCAGATCTCGAGATCAACCTAAGCTACTCTTTGATGTCCTTTCACCTTGACTGACATGGAAT

ATTGTTGTCTTTCATGGGATGGTCAACACTGGGAGGGTGGAAGCTTATCTGGAATTTTACATAAGACATAAGG  
ATGGGTTGCCGATTAGCTCCGAAGCGGAAAGGGATAGAGTATTGCACTGTCTTGAAGCAGCTATTGAAAGAA  
GGGAGTCTGAGGGGCTTAAGCTAGAACTGTGTGCAGAAAGACAGAGTTGGGCTTCTCTCAGACATCACAAGAA  
TATTTAGGGAGAACAGCCTATGTATTAGGAGAGCAGAAATAGCCACCAAACGAGGAAAAGCAAAAAGACATTT  
TCTATGTCACAGACATGACAGGAACCAACATCGATACAAAAGTCATCGAGTCCATTCGAAAACAGATCGGTGA  
TGCCATGCTACAAGTGAAACACAACCTCATGCCTCTCCGAAACACCTCCAAAGGAGACGACAGCAGGATTCTTC  
TTAGGGTACTTCTTCAAAGCAAGAACCTTCCAGAATTTCAAATTGATAAGATCCTATTCTTGAAAGCTAGTTGTT  
GCTCTCCCCTTTGTGTGTATATTCTTTTCAAGTAAAAAAAAAATGCACAGATACACGACAAGTTTCATTCAAG  
GGACAATGTAAATATATAGGAACCCCTTCTTTAACCCCTTAGAATTGAGGGTTTGGTACATCAGCTCAAATTGTA  
GGTAATAAACCCAGGAGAAACCAACCAAGGCAAGCTTGTTTGAATGCTTGTATATGATGCTTTTAAGAAAAT  
TATGTGTACAGGACAGTGTAGTGTGGTAAATGCTGTTTCTACATAAATTGTAGAAGACTGTAAAGCTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_530 XM\_002864796|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing protein, mRNA

AACTATCAGAAAAATGTTTTCAAGAATTGATCCTGACAGATCAAATCATCCTGCTGCTCTCATCAACTATGCT  
GCTTTTCTCTTGTGCAAGCATGGTTCTACTGTTGTAGGTGCTGGAGCAAATGCTGGTGAAGGTGGTGGTTGATG  
AGAAGGTTGTAGGTATGAATGTTGCAAAGGAATGTTTGCTAGCGGCCCTGAAGGTGGATCCAAAAGCAGCAC  
ATGCCTGGGCAAATCTTGCTAATGCCTATTTTGTGACTGGAGACCACAGAAGTTCTGCGAAGTGTTTGGAGAA  
GGTGCTCATGGATCTATTCTTTGGGAAAAGGGAGCAAACTGGAGCCAAATTGCATGTCTATGAGATATGCC  
GTTGCTATGCACCGGCTGAAGGATGCAGAAAGGTCTCAAGATCGTAGTGAACAACTCTCCTGGGCTGGAAAT  
GAAATGGCCTCAATCATTAGAGATGGAGATGGCTTGACAATTGATCATTCTGTAGCATGGGCTGGGCTTTCCA  
TGTTTCAAGACTCAACATGAAATTGCTGCAGGATTTTCGTACAGATCAAAGTGAAGTGAAGAGAAAAGGAAG  
ACCATGCCGTCTACAGTTTAAATCAGGCAATAGCTGAGGACACAGATGATGCTGTTCAAGTGGCATCAACTCGG  
CCTCCATAGCCTCTGTACACGAGAATTTAAACATCACAAAGATACCTCAAAGCCGCAATTGCCCGCTTTAAGA  
ACTGTAGCTTTGCATGGTCAAACCTAGGTATCTCGTTACAACCTCTCAGACAACCTGACAGAGGCAGAGAAGT  
ATACAAGAAAAGCTTTGTCATTGGTAGCCACAGAACAAGCACATACCGTATTTTGTAACTTGAAATCTATACC  
GACAGCAAAAGCAGTATGAACGTGCCAAAGCTATGTTCTCAAAGTCTTTAGAACTACAACCTGGTTATGCACC  
TGCATTTAACAATCTAGGATTAGTGTATTGCTGAGGGTCAATGGGAGGGGGCTAAGTATTGTTTTGAGAAA  
GCTCTCGAGGCTGATCCATTACTCGATTGAGTAACTCGAAGTCTGCTAAAACGGTAGCCGTACATCGACTATG  
TAATAGCTTATCGTCGTGTCATGTTAAAGATTGAAAATTCTGCTGTTGGCTTCATCCTCATTTTTGAGTTTGGGA  
TGTAGACTTGATAATACTTTCTTGCAAGGAAATGTATATCAGTATTTACTCGATGAAGATGCTTCTGGAGAT  
TTCTTCACAAGCTTACTTCCTTGATGAAACCAATTTGTCAATCAGGATCAATATCATAGGTTCAATTAGGTTTAG  
TTTCTAATCTATTTGATTCTCACTTAGAAACAGTTTTTCTTGTACATAATTGTTGTTCAATTTACTGTATCC  
TGATTTTGTAA

>trans\_c\_531 DQ167445|Arabidopsis arenosa FRIGIDA (FRI) mRNA, complete cds

GTGAGTGAAGAGAAATTAGCTTCTCTGAAATGTGTTCTCAAATGTTTGAAGATCACAAGTTGGATCCTGTGA  
AGTCTCTTCTGGATGGAAAATTCACGAAATGATAAAAACTTGGAGAAGGATATTGTGGAACCTTAGGAAAA  
GAATGGAAGATAATGCGAGTCTGAAGAGAAAAACAGACGAAGCTTCACACAGAAGTATCTGAGTCAGGAA  
ATAAAGCGGTCGCGATTGGCAAGTAAGGGAGGATTCCCTGTTATGTCTTATCCAGTCAATGGTTTGTGGAAC  
AAAATGCAGCTACGTTTTTGGAGGACAAGAGCTGTTTCAGTACTAGTAGTAGTTCAATGCCACAAAAGTTATT  
GGATGGTGGACGTGCTTCTCAGTTAGGTAATTACCAAATTGCTTCGTCTTTGCGTGGACCTGGTTTGCTTGAAA  
CTACAGTTTTGCCTGCGGATATTGGTAGTGGTATCACCAATGCTGCTGCCTCATTCCCAGAGGAATGGGAAG

GGGAAGGGACAGCAACGAGGCTTCCATTTACAAAATGGGGCCAACTCGTGAGTTAGCTTATAAAGATATATC  
AGTTGGGCAAAGCTTTATTCAACAAGCTATGCCTACACTTGCAACAACCCCTACGCCACCGCCAACAACCGTG  
GAGCCTTATTAGCTGTAGATGGGTTTCATGGGACACTCAACGAGCAATAATTTTGATCTCTATCATTTTGCTGA  
TGCAGCTGTGTTGAAAATGATCTGCCAAGAACAGCAGCAGTCAAACCTGGCACTTTGTCTCGCCTTCGGCTG  
CCCCATAATCACCATCCTCCCTACTTTTACAATTGATCCTAAATGTTTTCATTTTATTATATAATGAAAACAGCTG  
GGTTGACTTCGTTTTTTGGATAGGATTACTGAAACACATTTTCTGTCTCAGCTGCAAACCGTTGGGTGTATTAT  
TAGTCATTAGATTTGCTAGGCAGGCTGGCTGGCAGAACGTTCTTTGCTCAACTTATGCACGTGAACAATGCTCT  
TCATCTATTCTGTTCAAAACAACCTCTTTATTTATGGTTTGTACAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTAAAAACCCCCC  
ACCCCCGGGGGGGGGGCCCGACCCCCATTCCCCAAAAAAGGAGCTAAAAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTT  
TAAAACCCCCGGGGGGGAAAAACCCGGGGGTTTCCCAATTTTAACCCCTTTGAACAAACCCCCCTTTTCCCCG  
GGGGGGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_532 AY279398|Arabidopsis thaliana photoperiod independent early flowering1 (PIE1)  
mRNA, complete cds

CAATACTGTGCGCAATGGTACATGAATATGGTACACATTGGAGCATGATTAGTTCAACTTTATACAGTATGACT  
GCTGGTGGGTTTTATAGAGGGAGATACCGTCATCCTGTTTATTGCTGTGAAAGGTATAGGGAACTCGTACAAA  
GGTATGTTATATCTGCTCCAGATAATCCAAATAGTGAGAAGATGACAAATGCTAGCTCTGGGAAAGCTCTTCT  
CAAAATCACGGAGGAAAATATTGAGTACTGTTAGACTTAGCTGCTGAGCAGCCTGATAGAGAGTACTTACTT  
CAGAAGCACTTCACTGCCCTGCTCTCAACTGTGTGGAAGGCTAGAATACGTGGCAACCGTTTAGATTCTTCGCT  
TTCTTGAATGGTTTCTATTCTGGTGCAAGGTATTTTTCAACTGGAAACCACATGACTCGGTATTTTGGGAGGG  
AAACAACAGGTAAATTGAAATTTGGCAACACAGGACACAACCTCAAGTTACTAGCTGCTGCACTTAATGATGT  
TTGTTCTACAAGGATGGATGATAAGAAGTCCCAATCCTATCATGGGGAACGGGCATCAGTCACTACAGATCAG  
TTGGAGTTAACTTGAGTTCCAGGGAGAGAATGATCTTATCGTGCCATTTCATCTTCGGTTGACTTAATAGT  
ATCTGATTCAGTTTACTTGCCCTTGGTCAACCTGGATACATGTGAATCTTCTGGCGCTCGAAAGCGGACAAGA  
GTTGCAGAGATGCGTTTCAGGGATGCTGCTAGAGCTTGCAAAGAAGATTTCCACGGATGGGCTTCCTCTGTTT  
TCCCGATAAACGATCTCAAACTCGCTCTGCTTCAAAATCACAGTCGCTGGGAAAGCATAAGCTTGGAGTTGCT  
GACTCTTCTAAATTTGCAAAATCCAAGCATAGGAAGACGGGACCGGACAATGGAGAAAGTTCCCACCACCTG  
ATTACTGACCATCAGATGCCATCACTTGCCAGGAAGATAACCATAACTTATATCCCTCAGTTCACCAATTCTT  
ACAGATTATTCATTTCCATTTGGCATGGATGAGTATCCATTCACATGAAGAGCCAGGGAGTCTAGAGATGA  
TTCCTCATGATTATATCCAGGATTGATTTAGGTCTCGACATACCCAAAGAAATTTGATCAAGTTCCATCCTTC  
AAATTGCCATATATTGCCAGCATGAATCTGATCTACTTCTTTCTGGGAATTTTCATCGATGGATGTTCTGTTCCGAA  
CGGTTGGGCACAGTCTTCTGTTGGAGAATTGAAGCAGGGTTTCTGGTGGATGGAAAAACCGAACATGATGT  
TACCAATTTTTGTCTCCCTTTCTTCTGTTTTGTTTTGCCAATTGCCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_533 AB124647|Nicotiana tabacum NtTPC1B mRNA for two-pore calcium channel,  
complete cds

TTTTTTTTTTTCGAATAGGAAACATTTAATTGATGAATGAAATAGGTGGTTATAAGAAATCTCTCAAATGAAG  
GAGTTTTATATGCAGATTAATATGAACGAAAAGAAAACTAAATGGAGCTTGGCTCAATCTTGGAACAAAAAT  
TCTGATGAGAGAAAGATGCTGTAATATCGAACTAACTTTTTCTTCAGGAATATCACAGGTGCTTCAAACCTCA  
GTTTATGCCAGTTGTCATCATCCTTTTTCTAATTTTTTTTTGGCTTTGAAGATTGCTGTATTATTCTCTGGCATAA  
GATTATCGATGTAATCTAACAAAAGGTGACCTAGTGAATGATTACAAAAGAATGGAACCTCATCATCGACACT

TCCTCTAGGTGCTCCCTTTCATGGGCATTATTTTTATTTTATTATTTTTTTGTTTTGGTGTATGCTCTTATGTTCC  
TTCATTTTTTTCTCAATGGAAATTGATTCGAGTGATGTGGGAAGTATTATTTATATGTACTCTAGCCTCATAAGT  
TGGATTTTACAGGGTTTCCCAGTGGTGTTCAGCAATTATTTTCATTTCCCTCATTACTGTAACTTTTCTTTAC  
AATGACTGGAACCTGTCGCGAATTTAATATTTATCTTCCAGAGCTACAAGGAATTAACCGGAAGTATTTGGA  
GCCTTGTTATTTTCATCAGTTTCTACCTAATAACCGTTTTGCTGCTCTTAAATCTGGTTGTAGCTTTTGCCTAGA  
GGCATTCTTTGCTGAATTGGATATTGAATCTTCAGAAAATGGTGAAGAACAGGACCAGGACAGCGATAGTAG  
AAGGATCGTCCACGTTTCGTTGGCACTAAACTAGGAGCCGCAAAGTTGACATTCTTCTCCATCATATGTTGAG  
TGCAGAATTGGGCGAAAAGGATTCCGATTAGTCTTGCTTCTTTCCAGATAAGGAAATCTTTCATCAAATGAAG  
CTCTGATCTTTGTTCTGTTCCCTTCTTCCCGCATCATACTCCCAGATCCCACCGTTCCAGTTCTTCCGTTCCC  
TGTGATGGAGAATTCCGAGTAAACCAAAATTTAAAAAAAAAAAAATGTCCCTGTACATCATAGTGTAAGATGTC  
AGAGGATTTTTTTAAGGGAACAACCTTTGAAGATTGGGAGTGAATCTGAATTGCGTAGTACAGGAGACTCTC  
CAAGATTTTATATACTTGATCTCCATTAGGAGAGAGACGGAAAAGATATTTTAGCTATGTACTCTGAGAACCTAA  
TTTCAGTTGGATTACTTCAAAAGANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_534 AB031321|Nicotiana tabacum cig2 mRNA, complete cds

ATCTTCATTTTCGTTGGAAAGTATTAGGAGGGTCGCCGCTCTGTTCTGTCATCTTCAGATTTTGCTGGTTTAGT  
TTCTTGTAAGCGTAATAATGGCTTTGGATTGCAACAATGGCGGCGAAGTTGGAGTGGATAACTCTCTTCAGTC  
CATTTGTTACAAGCGGGGCTCCTTGCGGCTGCTCGATCAGAGGAACTCCCTTTGGAACTGTCTACTTGGAT  
ATCAAGGACGCAACAGATGGATGGCATGCAATTAGGGATATGGTTGTACGTGGGGGCACCTGCCATTGCTATT  
TCAGCAGCTCTTGCTTTGGCAGCAGAAGTTTACAACCTCAGCCCCTTTAATGGGACACCCAATGATGCAGCGTC  
ACTTATTGCAGATAAATTGGACTACTTAGTCTCCAGCCGGCCAACCTGCGGTTAATCTTGGCGATGCTGCTATAA  
AACTTAAAGAAATTGTATCCGGGGCCGCTGCTATTTCTGCTGAAGCCAGGAGTGTCTTCCAAGCTTTTATAGA  
GGCTGCTGAAGCAATGCTGGAGGATGACGTTGCTTCAAACAAAGCCATTGGGTTCTATGGAGCAAATTATATC  
CGTGATCAACAAAAATCACTGGAGAAGTTTTCCGTTCTAACGCATTGCAATACGGGCAGTCTAGCAACAGCTG  
GATATGGTACTGCCCTTGGTGTATTTCGTGCACTTCACTCTGCAGGCGTGTTAGAAAGGGCATACTGTACTGA  
GACACGGCCCTTAAATCAAGGATCTCGACTCACTGCCTATGAGTTGGTTCATGAAAAGATACCTTCTACTCTCA  
TAGCCGATTCTGCTGCCGCCGCTTAATGAAATTTGGAAGAGTGAATGCTGTCGTAGTTGGGGCAGATCGTGT  
TGCTGCAAATGGTGATACCGCAAATAAGATTGGAACCTATAGTCTTGCAATTGTGTGCGATGCATCACAAGATT  
CCATTCTTTGTGCTGCACCATTTGACTTCCATAGACTTATCCCTTTCTTCTGGAGAAGAAATTGTTATCGAGGAA  
AGGTCACCCAAAGAGTTGTTGAACTCTCGTGAGGTCTCGGCGAGCAAGTTGCAGCATCTGGTATCGCTGTCT  
GGAACCCTGCTTTTGACGTCACTCCTGCTCATCTGATTTGTGGAATCATAACAGAAAAGGGAGTCATCACGAA  
GGCGGGTTCTGATTCTTTCAACATAAAGGAGTTTGTTCAAAGACAGCAGGGCCTTCCACATAGAGAGGTGG  
CCGTCAACGAACGACGTGCTATTCTACAGGTACACTAGAAATAAAAAATGAATGTATGATATGCCTATCTTAA  
ATTTGAGACAAACTACATAAGTGAGTTATTGATGAAATAAATGTTCTTGTTTCATCTGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_535 AY496128|Capsicum annuum 60S ribosomal protein L12 mRNA, complete cds

TCTCTTTTAGTTCATCAGTGGCTGTGGTTGTGTTTCCTTCTGTGGAATCTCTCGAATCCACTACCTTCCCGCCG  
CCGAATCATGCCTCCGAAGTTGGACCCTAGTCAGGTGCTTGAAGTCTTCGTTGCGGTCACCGGAGGTGAGGTC  
GGAGCCGCTAGTTCTCTCGCCCCAAGATCGGTCCTCTCGGTCTTTCCCCTAAGAAGATTGGAGAAGACATTG  
CTAAAGAGACCGCCAAGGAATGGAAAGGTCTTAGGGTAACTGTAAAGCTCACCGTCCAAAATCGTCAGGCGA  
AGGTCTCCGTTGTTCTTCTGCGGCGGCTTTGGTAATTAAGGCTTTGAAGGAGCCGGAACGTGACAGGAAGA  
AAACTAAGAACATCAAGCATAATGGGAATATTTCTTGTATGATGTGATTGAGATTGCTAGGGTTATGCGGCC

CAGGTCGATGGCTAAGGATCTCTCTGGCTCCGTCAAGGAGATTCTTGGTACTTGTGTGTCTGTTGGCTGTACT  
GTCGATGGCAAGGACCCGAAGGATCTTCAACAAGAGATTACTGATGGCGATGTTGAAATCCCCAAGATTGA  
GAGTAAACTTTCTTTGGCCACTCCTTTAGAATGAGGGATATTGAATTTACTTCTACATCCTTGTTTTATCAGTT  
TTGCTATTTAACGTAAGTTTTAGGGTGGTTTTTCTCTATTTCTCTCTTGTATCTGCGTTTTTTGTCTTTTTTTT  
TAAAGAAGCCTGAATTGGATTATTGCAATGAATATCAAAGCTTTATTTCTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCGAAAACCTAACCGACCCCGCCACCCCGGGGG  
GGGCCCCGGGCCCCCAATCCCCCAAAGGGGGGCCGAAAACCCCGCCCCCGGGCCGCGGTTTACCACCGCC  
GGGCCGGGAAAACCCCGGGGGGGCCCCACCTAACCCCCCTGGGCCCCCCCCCCCCCTTCCCCCGGGGGGGGAA  
AAAGCAAAAGGCCCCCCCCCGACCCCCCCCCCACCAGGGGGCCACCCGGAGGGGGAAGGGGGCCCCCCCC  
GGAACGGGCCCATAGCCGGGGGGGGGGGGGGGTACCCCCAGGGGGCCCCCCCCCTGGCCGGCCCCC  
AGGCCCCCCCCCTTCCCTTCCCCCTCCCTTCCCCCCCCCGTCCGCGGGTTTCCCCGAAAGGCCCGAAAG  
GGGGGGCCCCCTTAGGGGCCCAATTGGGGCTTACCGCCCCCCCCCCCCAAAAACCTGGACGGGGGGGG  
GGGCCCCCGCGGGGGCCCCCCCCCCC

>trans\_c\_536 DQ787041 | Glycine max bZIP transcription factor bZIP73A (bZIP73A) mRNA,  
complete cds

AATCAAGATATGATGTGAAAAATTGTTCAAGAACATAATCAAGTCTTGTGTGTGTGTGTGTATATATATGTGTG  
AATCATGCTTATATCACAACACATACTAATAGACATGAAGTAGTCGAAGCAGGAAGGAAGGAAGGTACAAG  
ATATAGTAGAGTACCTGGTCGATCTCATGACATGAAAGCAAAGCAGCTGTGCCATAACAGGACATGGACAAG  
ATCTGCATGATATTCAAGTGATTCAACCTCTGAAAAGCTTTCTCAAAATCACTCCATGATCCCAAGAGTGGGCC  
AATGAAACCTTTTACTTGCTATAAAGCACCTTCACCACCAAACCTTCCCATTTTCCCTAAACACTGTCTTCTCTCT  
TCCAAGATCCAGTAAAGCTTCAACAAGACCTTGAAAATGCAGCCTGGTGAAGTCACAAGTCTCCAATATCTC  
ATCCCTCCAATTTATCCCATATGCTACTCACTTTCCCATGGCACAGAACAACCTTACCTACAATGCAACTTAAT  
GAATTCTCTAATCCTTTATATAATTTCCAAGGTCCTTCTCAAGTTCATGATTTTAATAGACAGCCATGTTTGAGT  
AGCAATTCAACTTCTGATGAAGCAGATGAGCAACAGCAAAGCCTTATCAATGAGAGGAAGCAGAGAAGGATG  
ATATCGAATAGAGAGTCCGCACGACGGTCACGTATGCGAAAACAGAAGCACTTGGATGAGCTATGGTCTCAA  
GTGCTTTGGCTAAGGAATGAGAACCATCAGCTTATTGATAAGCTGAATCAAGTGTGAGACTGTCATGACAAGG  
TTGTTCAAGAAAATGTTCAACTCAAAGAGCAGACTTCAGAACTTCGTCGAATGCTTACAGAACTACAGGTCAA  
TAATCATTACCCCAAATTCAGAGAACTTGAAAAATCCCCCTAACTCACCATCGGAGAGCTGAGTCAGCATCA  
ACCAGTCATGACAAGTTATATAGATAAAGCCAGGGTGAGGAGGAAATTTTTCCAGTCCCTTTCTCCAGTTATG  
ATTCTTCAACTTCAGTCTTTTCTCCATTAGTCTGTAGCTTCATGCACGTAAAGAAGAACTGCAATAACTTCT  
GTTTGAGCATCTTAGTTGATTAATGTATAATTATGATTTTTATTTTTGGCATCCAAAGACACCTTAGAGCTTCTG  
AACTTGCTCCATATAGAAACACAGGGAGAGATCCATCATAATCCTATTTCAAATTTAGTTCTACAACTAATCA  
CAAACGATTTACAATCTACACAACAAAAACAGGACAACAAATTAAGGGCAATGGTCCGTCTATCCACCAATTG  
GTATTTTATTTGAGTGTGTTTTAACGAAATTAAGAGCCTTTGGGAGGATTATCACAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_537 NM\_001054337 | Oryza sativa Japonica Group Os02g0693500 (Os02g0693500)  
mRNA, partial cds

GGGTTTCTGTATTTCTATTGAATTTTTCCCTTTTTCTCCGAATATTCTCCTTCTCCATTCCAATTTTGAGTGATCC  
TAAAGGAAAGAAGATAATTGGGTGGTATGGTTATGGAGTTATAAAATAGATTTCATTTCTTTTTCTCTCTC  
TCTTTCTTTTCCCTTTCCCCCTTTCTCTGGTTCTCTGTTGGTTTCTCGAGAAAGGGGAAAAAAGGGTTATTT  
AGTTTCAAAGAGAAAGGAGAGGGGGAAAAAATGGAGAAGAAAGGGGATATGAATGTGGTTGGTAAGATG

GGTAAGTTTCAATTGAGTTTTTGGGAGTTGGGTGTGTTTACAACCTGTTGTTTTGCCTTCCTTTCCGGCCTTCTC  
TGTGTTTACCTAACCATGCCGGCCTCCGATTACAGCTTCCTCAAGCTTCCTCGTAACCTTCAAGATCTTCAGATT  
CTCAGAGATCACCTTGAGGAATATACAAGTGACTACACTGCACAGGTCTTGGTTGGATACTGCGTGGTCTACA  
TCTTTATGCAAACCTTCATGATACCTGGAACGGTTTTTCATGTCACTGCTTGCTGGAGCCCTCTTCGGAGTCTTCA  
AGGGCGTTGCTCTTGCTGTTTTCACTGCTACGGCCGGAGCTTCCTCGTGCTATTTCTCTCGAAGATGATTGGG  
AAGCCCCTCGCCTTTACTCTTTGGCCCGACAAGGTGAAGTTCTTCAAGATCAGGTTTCTAAGAGAAGGAAAA  
AGCTGTTGAACTACATGCTTTTTCTAAGATTGACTCCAACCTTGCCAAATACATTCAATGTTGCATCTCCAA  
TTGTCGACGTGCCTTACCATACCTTCTTCCTCGCTACCGTGGTTGGTCTCATCCCGGTGCCTATGTTACAGTCA  
GGGCTGGATTGGCGCTCGGAGAATTGCGATCGGTTGGTGATCTTTACGACTTCAACTCGATCGCCACATTGTT  
TCTTATTGGAATTGTCTCGGTGACACCAACTTTAGTTGGCAAGAGTAAATCATAACATTCCATGGCGTAACACA  
CACACACACACACTTGAGCTTGGATATTTGATTGCCTCGGAGCCGAATTTGCAGCCTGATTCTGTGTACAG  
ATATAGCGTGATCCTCCGAGCAGCGACTGAAGGTGATAAATGATAATTGATTGTTTGGTGTGTTGAATATAAAT  
GTGGAAGAAGTGAGGTTTTGTAGAGTTTGGGGAGAAGGGTCAGAGTTATTATATTTGGATTTGATCGTCAGT  
AATTGTTCAATGTCTCTTATGGATAATTGTAATTGATTGACAAGAAATCATACAATGGATGATCATATTCATTTG  
ATTGACCAAAATTCATAAAATGAAACATCATAATTCATTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_538 NM\_001186035|Oryza sativa Japonica Group Os02g0478550 (Os02g0478550)  
mRNA, complete cds

ATTTTCATTTTCATTTTCGTTCTTTTGCAAGTCATACTTCTCTAGACACGCTGCTCCACCAAAAACCCACACCTG  
CCGGAAAACCTATTTGCAAGTTCTCTCCGTCGTATCGGAAAACATCCTTGCTTCTGCCTGAAGTTTCACAAGC  
TTATGCTCTCTCTCACTCACAGAGTTCGACTCTGTCTCATCTCTATGTTCTTATTCTCATCCATTTGATTGTTT  
CGGACGGATGCCAGACCCTCCAGGCGGCGCTCAAAGCCTGCTGCATTACCGTAAACAAGCCTGACCACAAG  
TCCGAGTGGTGGGCTGTTGATGGCGAAATGCATGAAATCGGCGACAATGTTCCCCCTCGCGAGCGATTGTTA  
TACCCAGAGAAAATCTCCCAATCGGCGTCGAAAGCAGCTCAGGGAACAGTTCATGCGTCGGACTCGCCTCGT  
TCTCAAGGAATCTGAGCACGATCCATGGTGCAAAAAGTACATGGAGCTTTATCAGGAGCTAAGGGAAAACTG  
GGAGAGACTGTACTGGGATGAGGGTTATTCCAAAAAAGTTGCTAGGGATCATGCAACTATGAGTCTGCTGA  
GGACGAAGATTTTTCTCCTTATAGGAATAGGCAATCCACTGCTGATCGGAATATGGGTGAGGATTTTAGGAGG  
AACATGCAAGGTGATAACTGGGAGAATGTCAGCCAGATTAGAGATAAGTTTGAATACGATAGAGAGAGAAG  
AATGCAAGAGAGAGCATTTGCACCTATGCATGGAGATCGAACTTTTCCCTCACAGAATCCAAATTCTCGATGG  
CAACAAACAGACGTGCAGCCTCAAAGATACGTGTCTGAGAGTGATAGTGACTGACAAATTGACTAAAACTTT  
ATCTGCGTCTATGTGGAAGAAGAAGGTAGAAATATCCTTACAGCTCATCTCTCCCTTTGCTGTGGTTACCATTA  
TATCTGCAGTTGTAGGGTGTCTTCTCCATCTCAAGTTTAAAAACAACCAGAATCATTTTGGTTACTTCATTAGGTT  
CACTTCGAGATCTGTGGTTGGTTTAGATATTGTGTTAATATGCTCTATAGAGTGAACACAAATAAACTGAACAT  
TTGGTACCGCTACATTCAAATGACATAATGATTGAAAGAGCTTGGCACTGGGGAGAGGCTTTTTTTTTGGTCTC  
CAGTTTAGATCTCTGAAAGAAGGCCAATTGAGAGAGATTGGTGATGGATATAATATCTATACTTTGTACACCTT  
GAAATGTAGGATTTTGTACAATTAATTGAATCTCATGTATGAATTTTGTGTTAAAGGGTCTGTGAAGGAAC  
TGAAAGGCCCAATTGAGTGTAGTTTAAATTGACTGTTGGTCAGTCAACAAGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_539 XM\_002866731|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase, mRNA

AGTTTACCATTACAGAGAACTTGAGAGAGAGAAAGGGAGGCTTTGGACTTTGGAGACGAAGACCAAAATTTT  
CATTCCATACTCTCATCCAAATCCCCATCTTCAATTCCAAATCCTGCTCCCGAAAGGGTTTCTGTTTCCATGGCG  
AAACACAGACAATCTCGATTCCCTACTCGGAAGTCCTTCTTCTCTACTCTCGTTTTTACCTTGCTCATTATGT  
TCACTTTCGTCATTCTGATTCTTCTCGCCCTTGAATCCTCTCGATCCCTGGGAATTCGGCGGTTTCGACCAAGG



TTCATGATCTCAGCTCGATTGTGCGGAAAACCTCCGATGACGTTGACGAGGAGAAAGGGGAGCAGTGGGTTG  
AAGTGATCTCATGGGAACCTAGAGCTTTCATTTATCACAACCTTCTGACAAAGGAGGAATGTGAATACCTAATC  
AGCCTTGCCAAGCCTCATATGCAAAAGTCTACAGTTGTTGACAGTGAAACTGGACAGAGTAAAGATAGCAGA  
GTTGCGACTAGCTCTGGAACGTTTTTGCCGAGAGGACGTGATAAGACTATTAGAACTATAGAGAAAAGGATTT  
CTGATTTCTCCTTCATACCCGTAGAGCATGGAGAAGGACTTCAGGTTCTTCATTATGAAGTAGGACAAAAATAT  
GAACCTCATTTTGATTACTTCCTTGATGAGTACAATACAAAGAATGGAGGTCAACGTATAGCAACAGTGCTTAT  
GTACCTCTCAGATGTGCAAGAAGGAGGTGAGACAGTGTTCCCTGCTGCCAAAGGAACTTTAGTTCTGTACCT  
TGGTGGAATGAGCTTTCAGATTGTGGGAAGAAAGGACTTTCAGTTAAACCAAGAGGGGCGATGCATTGCTT  
TTTCTGGAGCATGAAGCCTGATGCTTCTCTAGATCCATCAAGTTTGCATGGTGGCTGCCCCGTTATCAAGGGG  
AATAAATGGTCTGCTACTAAATGGATGCGAGTAGAAGAATACAAAGCTTGAGTTGATGTGACTAAGGTTGGT  
TGACATTTCTTGTTATTTGTCAAAGTCACAGATGCAATTTGTGTAGGGAATCATCATTTTCTATAATTTAACCTT  
TGTCCACAACCTAGATCCTTAAATCTATGAATTTTGATGTGCTTAATATTTTAGTTATGAGCTTACATTGTTAT  
TGATTTCTTGTTTATGGCCACGAGAGAATAAGAGTTCATATTTTGGCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAGCCCCCCCCGACCCGAGAAAAAATTAACCACACCCCCACCCCCGGGGGGGCCCCGCCCCCTGTCC  
CCCCATTGG

>trans\_c\_540 AJ133146|Persea americana mRNA for fructose-bisphosphate aldolase (alf gene)

CTTCTTCTATTTTCAATCCTCGTTTCCATTCCAAAATGTCTTCCTTCAAGAGCAAGTATAAGGATGAGCTCATTG  
CCAATGCTGCCTACATTGGCACTCCTGGGAAGGGTATCCTTGCTGCTGATGAATCAACTGGTACCATTGGCAA  
ACGTCTAGCGAGTATCAATGTTGAGAATGTTGAATCGAACCGACGCGCACTCCGGGAACCTTCTTCTCTACTC  
CCGGTGCCCTTCAGTATCTCAGTGGAGTTATCTTGTTGAGGAGACTCTCTACCAGAAGACAGCTGCAGGCAA  
GCCATTTGTTGATGTCTTGAAGGAAGGTGGTGTGTTGCTGGCATCAAGGTTGACAAGGGTACTGTTGAACCTT  
GCTGGTACTAATGGTGAAACAACCAACCAAGGTCTTGATGGCCTTGCTCAGCGCTGCCAAAAGTACTATGAAG  
CTGGTGCTAGGTTGCGCAAATGGCGTGCAGTGCTCAAGATCGGTCTACTGAGCCGTCACAATTGTCTATCAA  
CGAGAATGCTTATGGATTAGCTCGGTATGCTGCTATCTGCCAGGAGAATGGTCTTGTTCCCATTTGTTGAGCCT  
GAGATTCTGGTTGATGGATCTCACAGCATTGATAAATGTGCTGAAGTGACCGAGCGTGTTCTTGCTGCGTGTT  
ACAAGGCCCTCAATGATCACCACGTCTCTCGAAGGGACTCTGTTGAAGCCCAACATGGTTACCCCTGGATCT  
GAAGCTGCCAAAGTTGCCCCAGAGGTGATTGCTGAATACACTGTTGCGGCTCTACAACGTACCGTCCCTGCTG  
CAGTTCCAGCCATCGTTTTCTTGTCAGGCGGGCAGAGTGAGGAGGAAGCAACCTCAACCTCAATGCCATGAA  
CAAACCTGAAGGGAAAGAAGCCATGGTCGTTATCTTCTCGTTTGGACGTGCCCTTCAAGCAGAGTACTCTCAAG  
GCATGGGCAGGAAAGGAGGAGAATGTTGAGAAGGCAAGGGCTGCTTTCCTCACAAGGTGCAAGGCGAACTC  
GGAGGCAACCTCGGAACATACAAGGGTGATGCAACCTCAGCGAGGGTGCGGCAGAAAGTCTTCATGTCA  
AGGATTATAAATACTGAAAAGGGGTATTTTGTGTTTCTATTGTTATTATGTTTTGTTAATTAAGCATGAGGTT  
AGAGCATTCTGACGTGTTGATGAGGTTTCATCAGGGACAACAATAAGCCTTTTGAAGAAGCTTTTTCTTGCTTT  
GCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTT  
AACAAAGAAGGAAAAAAAAAATAGGAATTTATCTATCTTTACATTGAACTTTACCCCCAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_541 NM\_001058120|Oryza sativa Japonica Group Os03g0800500 (Os03g0800500)  
mRNA, complete cds

TTGCTTATGCCGCTTCTTCCCACTTCTCTCTACCAAATCCCAGTGAATTCATCATACTCTTCATACCCTAAAAT  
CAGCAATGCCCTTTCCAATTCATCACTATTTGCAAGATTCAACATCTCCGCTCGAACCCCTTCGATTGACATTG  
GAGAAATCTCCTCTAAACCTTTTCTATCATCATTCCTGAATCAATTTCCAATGCCATAATCCCACTCCCACCCA

AATGTCTCGGCTAAATCCCTCTGGAGCTGCAGAGGATTTTTCTTGAACAATTCAACCCCCACTCGTATTCTTCAG  
CTTCCGGTAACCGATGACTACTTCTTTACCATTAACCTCTCCATTATTCTCTGCATTTTCGCCGAGAAAGACCCTT  
TTTTCGCTCAAGCTTAATCGGCCCTCCATCACTCAGAGTACACATTCTCTTCATTTTTCGAGTCCATTTGTAAATG  
TTCCTCATTCAAACCTGTTCTGATCCTGTTTCCTCGACTTCTCGGATCATTCGTACTGTCCCTCGAAGTTCTTCAAA  
TGGGTTTCTCGAAGATGACGAGATCATCCCTTCATTTGAGGAGAAGCCAATTAAGTTCTGATTTTGGTTCTGT  
TTTGGGCATCTTTATCCCTTGCTTGGTTTGCCGCTTCTGGGGATGCTAAAGCTGCTGTTGATTCTATCAGAGCTT  
CGAATTTTGGGCTAAAGATCGCCAGCGCATTGCAAAGCTCAGGCTGGCCTGCTGAGGCTGTAGTGTGGCCCT  
TGCTACACTTCTGTAAATTGAGCTCCGTGGGGCCATTCTGTTGGTTACTGGATGCAACTTAAGCCTGTTACTC  
TAACCGTTCTATCAGTACTTGGGAACATGGTTCCTGTACCCTTCATCATACTCTATTTGAAGAAATTTGCAACTT  
TTCTAGCGGGAAGGAATGCATCTGCCTCTCAATTCCTCGATATGTTATTCAAGAGGGCCAAAGAGAAAGCTGC  
ACCTGTTGAAGAGTTTCAGTGGCTTGGTCTGATGCTATTTGTGGCCGTGCCTTTCCCCGGAACAGGAGCTTGG  
ACTGGTGCCATAATTGCTTCCATCTTAGACATGCCATTCTGGTCAGGTGTCTCTGCAAATTTCTTGGTGTGTGA  
GTGGCAGGGCTTCTAGTCAACTTGTGGTGAATCTTGGTCTGAAGGAGGCCATTGTCACCGGAGCGATTCTTT  
TCATTATATCAACATTCATGTGGAGTATTCTTGAATGATAAAGAAAAGCTTTAAGAAAATGAACTAATCCAAA  
AGGTTAGGTATTTCTTGTCTACTGACAATGAACCAGTTGGTCTAATCTTAGTCTGATAGATCTTGACTTTGA  
CTTGTTACTTGTTAGTTTAAGTTGGAAATCTGATCAATTGATTACTTACTCTATAAAA

>trans\_c\_542 XM\_002891231|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription factor, mRNA

TTTTGTGTTATTATCGTTTCCCTTTTAAATCCAATCCCCAACTTTAACGAAGATGTCCCGATCGCTGGTGCAGC  
CGATCGGGCAGAAGCGGCTGACCAACGTCCCCGTGGTTCGTTTGAAGAAACATGGTCTTCGCTTCGAGATTGC  
CTGTTACAAGAACAAGGTCCTTTCATGGCGCTCTGGCGTGAGAAAGACTTGATGAGGTTTGCAGTCGCAA  
ATTGTTTATTGAAATGTTTCAAAGGAGTTCTTGCAAAAACAAAAGATTTGAAAGCAGCTTTTGGTACAGATG  
ATCAGACGGAAATTTGTTTGAAGATTCTTAAAGAAGGGGAACCTCAAGTTGCAGGGAAGGAGAGGGAGGCT  
CAATTATCCAATCAGTTTCGTGATATTGCAACTATTGTTATGCAGAAGACCTCAATCCTGAACTAAACGCCCT  
TACACCATTAGCATGATTGAGCGACTAATGCGTGAAATTCATTTTGCTGTGATCCAAATCACAGCTCAAAGAA  
ACAGGCACTAGAGGTTATTCATGAGCTTCAGAAACAGTTCCCAATTAAACGGTCACCTATGAGGTTACGATAT  
ATTGTACCTGAACAGAACGTCCCTTCTCTTCTTGATAAGTTAAATGCTTGGAGTGCTAGTATTGTTTCCAATGAC  
CAGTCTGGAAATCAGCAACGAAGCATAATTTGTGAATTGGATCCTAGCTTTTATCGAGACTGCAATCCACTAAT  
GAGTGAACACATGGCAGATTTGAAGTTCTCTCTTTTGTGTCACGAGGAAGGAGACACCAATGTGGATCAA  
TACGAGGACGATTATGAGAATGTGGAAGTGTACCAAGGCAATTAAGGAAACAGAATCGTCTATTCTCAG  
CTAAGTGAAGCTTTACAAAAGCAGACAATTTCTGTCAACAGTGATAACGCCCAAAGGAAGGAAAACGCTGC  
AGCACATGCAACGTAGCCGTGGGAGATGCTACAAAGTTAGAGAACATCACAAGAGTGATTGGCATAAGCAT  
AATGTCAAGCGCAAAACCAAGAATCTTCCACCTCTGACTGAAGAAGAGTGACGGTAGAATTGGCAATGGGT  
GATTCAGAGTCTGACCTGAAGGAGTATTCATTTGAACTACCTGCCGTGTTTATGCTTCGTTGAATAGCTTTGA  
GGTTTTTGTATTTTAGTTTTGCTGCTAAATAGTATGAAACAATACTATTGTATCTTACACTTGTAGACGGTCTC  
AACATGTCTCGCATCATGTAACAATCTCAATTTTCATAGTTTTGTCATTTTAGTGCTTTTTGTACTAGAAAGAAT  
GTAATGACTGAAATATGACCGCTTGTAATCAATTCGGGTTTGATTTAAATGTTTTATGTTTTCAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_543 XM\_002869634|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase, mRNA

AGGGATTCAAGCTCTTTTAACTTCCTATGGTAGAGAAGAGGAAGTTGTGGCAAAGACCAGGAGATGTTGA  
AGGCTTTGGACAGAGCTCTGTTGTCTCTGAGGAGCAGAAGCTTAATTGGGGAGATCTCTTTGGCATGTTTATC  
CTCCCCACTTATCTGAGGAAACCTCACTTGTTCCCCAACCTCCCTCTTCCATTCAGAGATGATTTGGATGCCTAT  
GCATTGGAGATGAAAAATCTTGGCATGAAACTGTTGACTTAATGGCGAAAGCTCTGGAAATGGATAGTAGC

GAAATGAGAGAGCTGTATGAGGAAGGAATGCTGTCAACAAGAATGAATTACTATCCTCCATGTCCTCAACCA  
GAACTTGTTCATGGGACTCAATAACCATTCTGATGCTTCAGCCATTACCATTCTTCTTCAAGTCAATGAAATGGA  
AGGCCTCCAGATAAGGAAGGATGGGAGATGGACTCCTGTTAAGCCTCTCCCAATGCTTTTGTGTCAATATT  
GGAGATGTTTTGGAGATCGTCACAAATGGAATATATCGCAGCATCGAGCATCGGGCGACAGTGAACCTCAACG  
AAGGAGAGGCTTTCAGTGGCCATGTTTTTCAGTCCAAGGTTGGATGGGGAGATAGGTCCTGCCCAAGCTTG  
GTCATTTCAGAAAGACCTGCTTTGTTTAAAAGAATTGGAGTCGCAGATTTCCTCAATGAATTCTTCAAAAGAGA  
ACTGAATGGAAGGTCATATCTTGATGTTATGAGGATCCAAGAGGAATAAGACTAAAAACAGGCGTTATTTCAG  
GAGTATATCTCAACTAGGTTGACACATCCTACATCCTAGCACTCTCATTATACTATGTTGAAATTTTATTGCTTA  
AATGCCCCACCACTTACCTGGAAGAAGTTCTTTTTGTTGATAAAAGCTGTTAGAAGCAAATTTGAGTTGGTAAA  
AGCTTTTGAAGAGTTGGATCTTTTGTTCAGATTTTGAAGCAAATTTGAGTGGGTTAGTGGCTTTCTTTTGTCTG  
TTTTGATCAATGGCCAATTCAAATTTTAAAGTAAATGCAAGATGAGGAGTGGGGTTTCCCTTTTTCTTTTCCAG  
TTTTAATCAAACTATTTCTAAATTTGAAGAAAATTCAAGTGGGTGAATGTGGGTTTTGAGCTGTTTTGATCAA  
ATGCAAACCCCAATACGAATTAGGGGAAGAGATTCAAGTGTGTGAGTTGGTATTTTCTATTTTGTCAATCC  
CCAGTTTCAGTTTTTGAAGATCAATTACTGTTATATATGGTCCATACCCCTCTTAGAAAAATTTGAAAAACAAC  
TTTGATCGAAATATGGACGATTGAATAGAAATATATAATTCTTTTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_544 AY116964|Arabidopsis thaliana AT3g47850/T23J7\_180 mRNA, complete cds

TAAATTTATGAAATCGGAGGGAGGTCGTAAACGGGATCCGGCATCGAGCAGCAACAGAGCTCGAGAAGAAG  
AATCCATGGTGGCCATTTCCCTTTACAGAGGTAACCTCCACAGGGTCCCTGATATTCTCGCCGATGGCTTATG  
CCCACCCACAATATCTCCATTAAAGATTTCAAATCCCTTCTTACCCTCGTTCAAAGCCCTCTCTCGCTCCGC  
ACCCCCACCTCTTCTTCTCCAGCCAACTTTCTACTTCCCCTAACCCCTAACCCCTAACCCCTAATACCAATTCTTTAAT  
TAAATCGGATGGTGTATGGACCTAGAAATAATGGGTCTGCGCTGAGGTTCCATTGGAACTCATAGGGTTAG  
TGTTGGTGGTGAAAGACCTTCTGCGCTTGTCAAGGAGAGGAAGAAGTCGGACATTGGTGATAATTGTATTGG  
AAAATCGGGTGATGGGTTTGATTCTTTAATGGTTCGGAAACCTTGTTTTGCTGAGCAGGGTTCTAATCCCGTG  
GAAAATGGTGGCGCGCATGCGAAAGATAAAAATCCTGCTGTTTTAGAAAACCCCTAACACAGAGGCAAACAAG  
GAGGAGGGTTTGTTAGAGGACAAGGAGGACAGGAAAAGGGAACCTGAAGAGAAGTTAAAAGTTTGAATGA  
AAAAAACATAATCTTGTTCAAGTGTTAAAACAGATCTTACATGTGGAAGAGGAATTAAGGCGTAGTAGT  
GTGCAAGGAACGGCAATTCGCCCTTCTGCTCCTCTTCAAGTGGATGCCTCAGCTGATACAGGTTCAATGACCA  
GACAGCTTGCTTCTAGGGTAGGCTCAGAAGTGAATGCTAGTGGATATATTGAAGGGGGAGAAGCTGATGATC  
TTTTGAACCAGAATTTTCTGCTCGTCAAATGCTTCGGAATAGCAGTATGTCACCTTCTTCAGAGTCCCTCTTA  
GAAGGCCTGTTACATCCAACCAATATGGGCTCACATCCATCCCGAACAAATCTTGGCATTACTGGGAGTCC  
ATCATGTCTCCCTCCGGCTGCGCAATCAGGGCTTCCCTCAAACCTGCCTACTGTATCTGTATCCGGAACCACT  
ACGTTGCATCTTCACCTTCTCTGCTGCATCTGGGGGCACTTCAGTTCTCAGAGATGCTCGGCAGCCTAGCCCA  
TGGAATTAGAGATCATCTCTGTAATTTGCATTGATGAGTTCGTTTTGATTCTCCACTTCTGGTTTCAGCAGAGC  
AGAGTGAGTTCTAAGACTAGTTTCATGATGTATAGTTATACTCTTGTGAAAATTAGGTTTGATGATCTACCCAG  
CTGTAAGTCGGCCTTGTAACATCACCCGACTGATGGTTTTGTATTTTGTTCAGTATATCACTTGTGCAAATTG  
GAAAAA

>trans\_c\_545 FJ174792|Lupinus luteus 5'-methylthioadenosine nucleosidase (MTAN) mRNA,  
complete cds

ATTTTCACAAAATTTTCTACCCATCAGTCGCTTGCAAGTCCCTTTGATTTTCCTTTAAATTGCTCAAAAATCTTGG  
CCATTGATAGCAAAGATCACTATGGTCTTCCCAAGGAGATTCCCAGCTCTGCAGAGAATGACATGGATTCTC  
AGACTCTCAGCAAGCTCCCAATTCATCTATTCTCATCATAATCGCTATGCAGACTGAAGCGCTTCCTTTAGTGG

AGAAGTTTCAACTTTCTGAAGATCAAAAATCTGTGTTTCCAAAGGAAGTTCCATGGGTTCGTTATCATGGGACT  
TACAGAAATCTTCAAATCAATTTAATTTGGCCTGGAAAGGATTGAGCCTTGGGAGTTGATAGTGTGGGCACGA  
TTTCCGCATCCCTTGTAACCTATGCTTCTATCCAAGCACTGCATCCAGACCTGATCATAAATGCAGGTAAGTGTG  
GTGGTTTTAAGGCGAAAGGAGCTAGCATTGGCGACGTGTTTCTAGTATCTGAGTGTGCCTTCCATGACAGACG  
TATACCTATTCCAGTTTTTGATTATATGGAGTCGGATTGAAGCAAGCATGGAAAACGCCCAATCTCCATAAGG  
AACTCGATCTAAAGGTTGGCAAATTATCAACGGGTGACTCGCTAGATATGTCTGCACAAGATGAAGCATCGAT  
TGTAAGTAATGATGCCACAGTTAAAGATATGGAGGGAGCAGCAGTAGCCTATGTGGCTGATATATTCAAAGTT  
CCTGCCATATTTCTAAAAGCTGTAACCGATATCGTCGATGGTGAAAAACCAACTGCCGAAGAATTCTTGCAGA  
ATCTAGCTACAGTATCTGCTGCACTGGATCAAGCAGTTACAAGAGTTGTAGATTTTCATCAGTGGAAAGTGCAT  
TCATGAACCTTTGATATTGATTGGACGTGCCAGAGTCGAATAACATCTAAGTTAGCATATATACTTTTGGAAATC  
ATACTGTGTACTCTTTGTTTTATTGTATGCTAAACGTGTTTCGGCTAGCCCGAGCAAACAAGTTGATGTCGCAG  
GTAAGGTTTACCTCTCTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AACAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCACAAAAATTTTATCAACCCCCCCCACCTCGGGGGGG  
GCCCCGGGCCCCCTTTTCCCCATATAGGGAGTCATAATACGCGCGCTCAGGGGGCCCTCTTTTCACAGCCGCGAG  
AGGGAAAAACCCGTGGTTTCCCCATCTTAACCCCTGTGCAACACCCCCCTTTTCCCCGGGGGTAAAAAAG  
AAAAAACCCCCCCCCCGATCCCCCCCCCAACATTCGCACACCCAAAGGGGAAAAGGACACGCCCCCTGAAGC  
GGC

>trans\_c\_546 GQ925908|Solanum lycopersicum flavonoid biosynthesis oxidoreductase protein  
mRNA, complete cds

AGGAGGCCTGCAAGTCTACGGCTTTTTCCAGGTTATAAACCATGGTGTGAGAAAGGAATTGGTGGAGAAAA  
TGATAGAAGTTGGCAAGCTGTTCTTTGGGCTGCCGGTGGAGGAGAAGTTGAAATTTTATTCGGACGACCCTTC  
CAAGACTGTCAGACTCTCCACAAGTTTCAATGTCCGGAAAGAGCAATTTCACAACTGGAGGGATTATCTCAGA  
CTCCATTGCTATCTCTCTCCAACCTACACCCCCCATTGGCCCTCTAATCCACCATCCTTCAGGGAAATAGTGAGT  
AATTATTGCAATGAAGTACGAGAAGTTGGGTACAGAGTAGAGGAGCTGATATCGGAGAGCTTGGGGCTGGA  
GAAGGAATACATAAGGAAGGTGTTGGGTGAACAATGTCAGCACATGGCTATAAATTATTATCCTCCATGTCCC  
CAACCAGAACTCACCTGGCTCCCTGGCCATACGGATCCCAACGCACTCACCATTTCTCCTTCAGGACATCCATGT  
CGCCGGCCTCCAAGTCTCAAATATGGGAAGTGGCTAGCGGTCAACCCCCACCCAATGCCTTTGTAATCAAT  
ATAGGCGACCAATTACAGGCATTGAGCAATGGCGTGTACAAGAGCGTTTGGCACCGAGCGGTGGTCAATGTT  
GAGAAGCCCAGGCTGTGGTTCGCTTCTTTTCTGCCCCTGCGATGACGCCCTCATTACTCCTGCACCGCCCCCT  
CTCCAACCTTCTCCATTTACAGACCTTTCACCTACGCCAGTACTACAATACTTTTTGGAGCAGAACTTGGA  
TCAACAACATTGCTTGGAACCTATTTAAAAACCACCCTCCTTAAAAAATGAACTCCATTTTTTTATCCTTTAGTTAT  
TACCGTTGGAATTATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAATTAAGTTTTTTTTTAGCAAATTTCTAACAACCGCCA  
TTTTATTCTACTCTCCGCTGTGTTATGATTTTACGTACACTATTTTTAAATATATCATACATTTGTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAAAACC  
CCCCCCCCCGGGGGGGGGGGCCGGGCCCCCATTCCCCCAAGGGGGGGGAAAAACCCCGCCCCCGGGGG  
CCTTTTTTAAACCGGGGGGGGGGGGAAAACCGGGGGTTCCCAATTTAATCCCCTTGAAAAACCCCCCTT  
TCCCCGGGGGGGAAAAAAGGCCCCCCCCCAATCCCCTCCCCAAAATTTCCCCCGGAAGGGGG  
AAGGGGACCC

>trans\_c\_547 X55884|L.esculentum APS-1 mRNA for acid phosphatase

ATTGAGCTAAATTCATCATCTTCTTCGCTTAATCAACAAGGCAAATTTCCCTTCCACCAACCCTCTCACCTCTCC  
TCCATTAATATAGCTTCAAGGAGAGGAAGAGAGGTTATTATTCTCATCTCATCTCATCAATTCCTTTTCC

TCTAATATCAATCAAGAATCATCCTTTCTTTCAAACCCAGAATATTCCCTTCCAGATCTCATATACCCATTTCTT  
TTTCTCAATCTAACTTCCTTTTCATCAATTTTTTCCAATACCCATTTCTTTATATATAATATATATATTTCGATCTCCT  
TCGATTCGATTGGCCCCTGTTCTCTAAACATGGGGTTTCTACGATCTTTCTCTCTCTTTTGCTTAATTTCTGTAG  
CTTTTGCTCATGAAGCTTTTCGATTCTCATCTCCTCCGAGACCACTTATTCTTGAGTTTCCTGAGGGTGTTGTGA  
ATCAGGTGAAGGAAGTTGATGAAGAAATCAAATTGAGATGTGATAGTTGGAGGTTAATGTAGAGGCTAATA  
ATTTGAATCCGTGGAAAACGATTCCGGAAAATTGTTCTGAATATGTGAAACAGTATGTAACAGGTCGGGCTTA  
TCAACTTGAAGTTGAAATTGCTTCTAATGAGGCAGAGATTTTTGCCAAGACTGTGAAATTGGTTGGCGATGGA  
AAGGATGTCTGGATTTTTGACATTGATGAGACCTTGCTTTCCAATCTTCCTTACCACACAGACCATGGTTACGG  
CTCGGAGAGTTTCAAGCCTGATGAGTTTGATAACTGGGTTGAGAAGGCTACAGCACCTCCCCCTTCAGCCCAGT  
TTAGAACTCTATAAAGAACTTTTGATCTAGGATTCAGCTGGTTTTGCTTACTGGAAGGAGCGAAAAGCAGA  
GGGAATCTACAACACGGAATTTGATAAATGCAGGGCTTTATGACTGGGATAGGCTCGTATTAAGGAGAGATG  
ATGACCAAGGGAAGTCAGCAATACTTTACAAATCTGAGAAGCGGAGCGAGATGGAGAACGAAGGATTACGA  
ATCATCGGGAAGTCTGGTGACCAATGGAGTGATTATTGGGCACTTCAGTTTCGGTTCGTTCTTTCAAACCTCC  
AAATCCTATGTATTACATTTCTGAATATAGAGAAGGGATGCATCACATCGTCAACGTTATGGTTCATAATCAA  
ACCATGGTTCAATATCTCCCAAAGAATTGTACATACGTTAAAAGATGTCTGACTTGTTGGATGTTGAATAAAA  
ACACACAGTTAAGAGGATCCATACGATCTTTTAATTTATATATTAGGAACTTAGTGTTGATGATAGTTGAAACT  
CCATTGTGTAAGCTCCAATATCCATTTTTATTGGATTGATAAATGATAATACTTCTAGCATTCTTG

>trans\_c\_548 NM\_001062549|Oryza sativa Japonica Group Os05g0511300 (Os05g0511300)  
mRNA, complete cds

TACAGCGATCCAAGCCAAGTAGGACTATGGGATGCAGTTGTGACTTGTTTTTTCATCGATACTGCTCATAATAT  
TATTGAATATATAGAGGTCATATCCAGAATTTTCAAAGATGGAGGAGTGTGGATAAATCTAGGGCCTCTGCTA  
TACCATTTTCGAGACATGTATGGTCAAGAAGATGAAATGTCCATTGAACCAAGTCTAGAAGATGTGAAGAAAA  
TTATATTGCATTACGGCTTTGTGTTTGAGAAGGAAAGGACAGTTGAGACGACATACACAACAAATCCTAGATC  
GATGATGCAAAATCGATATTATGCTGCATTCTGGACTATGAGAAAAAAATCAGCTACAGAGGGTATGACACAT  
TAATTCCTCCACAGTACGAGTTCCTACATTTCTTATTATTTGTTTTTCTTTTGTCCGAAAATTTCTTAGCACA  
GATATTCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTCTGATTCTTCTTTTTTTTTTTTTTAATTTTAATTTTACTTTTTAGTTTT  
ATTTTTTTCTGAGTGACATTCAATTTCTATCATTCAAGTAACAAATTATATTTGCATGGAGAGTTCTTAAATTTTG  
GGAAGTCCTTATGAGTTGATTGTAACATTCTTCCAGTGGGTGCATCTTGAAAATATCGAATTTTAACTGTTCTC  
AGTACATGTGATGTTTTGATGCTGAACCCTTCTGACTTAGAAGTTATGATGTTGGATCCCTTCACACAGATCT  
ACTTTAGTGACATTGCTATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCAAACCTCAA  
AACTTATCAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCGGAACCCAATTCCCCAAAAAGAATCGAATTACACC  
CGCCCACTGGCCAACGTTTTACAACGGCCAACTGGAAAAACCCCGGAGTTACCCAACCTAATCCCCTGCACC  
AAATCCCCCTTTCCCAAATGGCGAAAAAACAAAAAGCCCCCCTATCCCCCTTCCCAAATTGCAAAGCC  
TAAATGGAAAAAGGAACGCCCCCTGAAACAGCCCATTAACGCGGGGGGTGTGGTGGTTACCCACAACGAG  
ACCGCTACACTTGCCAGCCCCCTAACCCCCCTCTTTCCCTTTCTCCCTTCTTTCTCCACGTTCCCCGGCTT  
TCCCCTTAAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCCTTAAGGTTCCAATTAATGCTTTACGGCACCTCAACCCAAAA  
AAATTGAATAGGGTAATGGTTCACGTATTGGCCAACCCCTGATAAACGGTTTTTCCCCCTT

>trans\_c\_549 EU604829|Glycine max 1-aminocyclopropane-1-carboxylate synthase (ACS) gene,  
promoter region

AATGGTACACCAAGAACCCTGATTGGTGGGGTGATGTCTCTGGGGCTTTGCTGCCACATCCTAGAATGCTAAT  
GATGCCCGGTGGAGTTGAGAGGCACCTTGAAGGGTCTGAAGAGGGAAACCAGCTGCTTATGCTTCAAGTAA

TACTAAATGGTTGTCCCAACTTCCAGGAATCCAGGCTGTCCTCACCAGTCATCCTTTAAATTTTTGATATATGG  
TAGGACAGGGTGGATTGGAGGCCTTCTTGGGCAGTTATGTGATAAACAAGGCATTGCCTATGCGTATGGCAA  
AGGGCGTCTGGAGGATCGAGCCTCACTTTTGGCGGATATTCAGAATATTAAACCAACCCATGTTTTTAATGCT  
GCCGGAGTGACAGGCAGACCCAATGTTGACTGGTGTGAATCTCACAAAACAGAGACTATTCGAGCCAATGTT  
GCTGGAACCTTAACCTTAGCAGATGTTTGGCGGGAGCATGGACTCTTGATGATGAACTTGCCACTGGCTGTA  
TATTTGAGTACGATGCCAAACATCCAGAGGGTCTGGTATTGGATTAAAGAGGAGGACAAGCCAAATTCAT  
TGGTTCCTTTTATTCAAAAACCAAGGCCATGGTGGAGGAGCTTCTGAAAAGAATATGATAACGTCTGCACCCTC  
CGAGTTCGGATGCCGATATCATCTGACTTGAACAACCCACGCAACTTCATTACCAAGATTTCTCGCTACAATAA  
GGTGGTTAACATCCCAAACAGCATGACCATCCTGGATGAGCTTCTGCCATTTTCGATCGAGATGGCAAAGCGT  
AACTTGAGGGGCATCTGGAACCTTCACAAACCCCGGTGTTGTGAGTCACAATGAGATTCTGGAGATGTACAAG  
AAATACATCGACCTGAATTCAAGTGGGCTAACTTCACATTGGAAGAACAGGCGAAGGTAATTGTGGCCCCCA  
GAAGCAACAATGAGATGGATGCTTCAAAGTTGAAGAACGAGTTCCAGAGATGCTCGGGATCAAGGAGTCG  
CTGATCAAGTACGTCTTCGAACCAAACAAGAAAACCTCTGCCTAATAAGTTTTGATCTATAGAACTTAGGATTC  
ACAATTGCATTCTGCATTAGTTTATATGTTTATGATTATCACATTCATCTATGATGATGATGTTTCATTTTCACT  
CATAATTAATTGTTATTGTTTCTGTTCTGCTGCTATAGAAGGTGAGATTAGATTCAAATCCACCTGATATGATGT  
ATTTTAGAATATATTGTTTTTTTTTTGGTCTGTCCTTATCAAAAGCATTATTTTAGGATACAAGAAAACGTAG  
CCTGCATTGTGCAGAAGAACTGCAAGTTTCAAATCCTATAATTATTGAATGGTATTAATTTTTTAAAAAAGAA  
NAAAA

>trans\_c\_550 AY902468|Gossypium hirsutum 3-ketoacyl-CoA reductase 3 mRNA, complete cds

ACAATTAGAAAAGGTGTATGGGAGAGATGCTGCATCATCTTTTATACAAAAAGGTGATGGAAGCCATTTGTT  
TCTAAAAGGAAGTAATTTTTTCACTTTATATTCAATTAAATGATCTAGTTCTTAAATAATATTTTCCCTATACGT  
TCTTACTCATCGTTTGAATCAAGTCAAGCCAACAAATACCAAATCATCTGAGAAACCATCCCTAATCGACCCA  
TTTTACATCACTGAAACCCACAGAGATTTAGCGATTTGTAGAAATCTCAAATATGTGGATTTTTGGATGGAAA  
GGACCATCTGGGTTTTCAGCCCGTTCTACTGCAGAAGAAGTCACTGAAGGAATAGATGGCAATGGCCTCACTG  
CTATTGTTACAGGAGCTTCAAGTGGTCTTGGTGAAGAGAGCACACGTGTCCTTGCAATTACGAGGAGTCTATGT  
CATTATGGCTGTTAGGAATGTTGAAGCAGGAAGAAAAGTAAAAGAAGCAGTATTGAAGGAATCCCCTTCTGC  
TAAAATTGATGTCATGGAGTTAGATCTTCTTCGATGGAATCTGTGAGGAAATTTGCAGCAGATTATATTGCAT  
CAGGCCGTCCACTAAATATTCTGATGAACAATGCTGGTGTTATGGCTACTCCTTTTACGCTTTCCCATGATGGC  
ATAGAACTGCAGTTTGCAACAAATCATTTAGGACATTTTCTCCTGACGAACCTTCTGCTGGAACCATGAAAAA  
AACTGTGCTTGAAAGCAAAAGGGAGGGAAGAATTGTCAATCTATCATCAGAGGGTCACCGAATGGCATAACGG  
TGAAGGAATTCGTTTTGATAAAATCAATAATGAAGCAGAGTACAGAACCATCTTAGCTTATGGACAATCAAAG  
CTTTCCAACATATTGCACGCAAAAGAGCTTGCCAGGCGGTTAAAGGAAGAAGGGGTAGAAATAACAGCCAAT  
GCTCTTCATCCTGGAGCAATTGCTACCAATCTGCTACGCTTTTCATAGTACCATTAATGCTGTTACTAATTTGGTC  
GCTAAATTCGTGCTTAAAAATGTCCAGCAGGGAGCAGCAACTCAGTGTTATGTAGCACTGAATCCCCAAGTGA  
AAGGGGTAAGTGGAGAGTATTTTGTGATAGTAATATTGCTAACCCAACCAACATGCTAAAGATATGGATTT  
AGCCAAGAACTGTGGGATTTTCAGCGTGGATCTAACCAACCCAAAATAATTGAATATTCTTAAGAGAAGCCTT  
TCTTATTCTTAGCTTCTTATCTCAGGCTTCATGTTACAGATACATGGCCAGTTAAATGGTTAAAGTAAATGAATT  
ATTATTTGTAGTTTTTGAATCCCCTCAATTGAAACATAAACAGGGAGAAGACACTGTTATATATCTATAATGG  
G

>trans\_c\_551 NM\_102914|Arabidopsis thaliana CYP97A3 (CYTOCHROME P450-TYPE  
MONOOXYGENASE 97A3); carotene beta-ring hydroxylase/ oxygen binding (CYP97A3) mRNA,  
complete cds

ATTGGAATGGAGTCCCTCTTCTCCCGTCTGACTTTAGATATCATTGGCAAGGCAGTTTTTAACTATGACTTTG  
ATTCACCTACAAATGACGCTGGCATAGTTGAGGCTGTTTATACTGTTCTAAGAGAAGCAGAAGATCGCAGTAT  
TGCACCAATTCCGGTATGGGACATTCCAATTTGGAAGGATATTTACCACGGCAAAGAAAGGTCTCGAAAGCT  
CTTAAATTGATCAATGATACTCTCGATCAACTAATTGCCATATGCAAGAGGTTGGTTGATGAGGAGGAGCTGC  
AGTTTCATGAGGAATACATGAATGATCAAGATCCTAGTATCCTTCATTTTCTTTGGCATCTGGAGATGATGTC  
TCGAGCAAGCAGCTTCGTGATGATTTGATGACTATGCTTATAGCTGGGCATGAAACATCTGCTGCAGTCTTAA  
CATGGACCTTTTATCTTCTTTCAAAGGAGCCTAGGGTCATGGCCAAGCTCCAAGAGGAGGTTGATTCAGTGCT  
CGGAGATCGTTTTCCAACAATTGAAGATATGAAGAACCTCAAATATGCTACACGAATAATTAATGAATCCTTG  
AGGCTTTACCCACAGCCCCAGTTTTAATACGTCGATCTGTTGATAACGATATGCTCGGGAAGTACCCCATAAA  
GAAGGGTGAGGACATATTCATATCTGTTTGAACTTGCATCGCAGTCCAGAACATTGGGATGATGCTGATAAA  
TTTAATCCTGAAAGGTGGCCTTGGATGGGCTAATCCTAATGAGACAAATCAAATTTTCAGATATTTGCCATT  
TTGGTGGGGGACCACGGAAATGTGTGGGAGACATATTTGCTTCATATGAGACTGTTGTAGCACTTGCCATGCT  
TGTCCGACGATTTGACTTCCAAATGGCACTTGGAGCACCTCCAGTAAAAATGACGACAGGAGCTACAATTCAC  
ACGACGGATGGATTGCAAATGACAGTTACACGAAGAATGAAACCTCCAATCATATCCACTTTAGAGGTGCCTG  
ATATGGTTGTTGATTCATCTGTTAGTTTCTTGAAAAATGAAACACAAGTTCAAGGAGAAGTTTCTTCTGCGCAT  
TCCTAATGATACTGTAGCAATCTCATTGTGGTTGAGATTTAATTCACCTCATAGTAAGAAGATGCAGGAGAGAG  
AGAGAGAGAGAGAGGAACCTTAAACCGATCCTCGAGTTCCTATCTTCTGAGGATTGATGATATTTCAATATTT  
TCAATTGGTCGGATGAAGCCCAGTTTGTGAAAGTCATCAGTTGCACATAGAATGGTTTGTATATGTATAGAAA  
CTATTCTTATTATTAGATATTTATAAAGATATATGTATTCCTTGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_552 AY070757|Arabidopsis thaliana At2g41800/T11A7.10 mRNA, complete cds

TCCCATCCATTCTTTACCTTTTTCTCTATAACCCCAACAATGGCTTCTCCTCCATTTTCATCACTCCCATTCTCA  
CATTCTTCTTGCTTCTGGCTTCTTCTGCCCTTGCTGGGACGATTTTAGAAGGACTTCTAGCAAATGGGAACTTTG  
AGGTGCCACCAGCAAAAACCAACTTGAAGAAAACAGTAATAATAGGCCAAAACCTCTCTGCCAAGCTGGGAAA  
TCAATGGCTTGGTTGAGTACATCTCAGGTGGGCCTCAACCCGGAGGGATGTTCTTCCCTGTAGCTCACGGTGT  
CCACGCTGTAAGACTCGGCAATGAAGCTTCGATCTCTCAGATCATACAAGTGAAAAAGGGATCTCTTTATGCT  
CTAACATTTGGAGCTTCAAGAACATGTGCACAAGATGAAGTTTGTCTGTGTTGGTGCCTCCCCAGAATGGAA  
GTTTGCCTCTGCAAACCTTTTACAGCAGCGGTGGAGGTGATGTCTATGCCTACGGGTTTGTAGCTCCTTCGGAT  
TCGGTTAAGGTGACATTCACAATCCTGGAGTTCAAGAAGATCCTGCTTGTGGACCTCTGTTGGATGCTGTTG  
CCATCAAAGAGCTTGTTCTGTCATTGCCAACAACAGTGAACCTTGGTGAGAAACCCGAGCTTCGAGGTGGGTCC  
TCATCGGTTGGGGAACCTCCACCAATGGAGTTCTTCTTCTCCAAGACAAGAAGATGTTACATCTCCACTTCCAG  
GCTGGATCATAGAGTCCCTCAAGGCTGTAAAATTCATTGATTCAAAGCATTTCAATGTTCTGATGGAGAGGC  
AGCAATCGAGCTCGTTGCAGGTAGAGAAAAGTGCCGTAGCTCAAATTATTAGAACCATCCCCAACAAAGTTTAC  
TCTCTAAAGTTCAAAGTTGGTGATGCCAAAACGGATGCCATGGATCAATGATGGTGGAGGCATTTGCTGCTA  
AAGAACTGTGAAAGTTCTTTCCAGTCTGAAGGAAAAGGCCTTTACAAAGATGCCATCCTGAAGTTCACAGC  
AACCTCACCTAGGACCAGAATCACATCTTCAGTTCCATACTACCACACTAGAACAGATGACTTCGGATCCCTCT  
GTGGTCTGTGCTCGACTCGTGTAGCGTTGCTCTTGCAAATAGAGATAATATTTCCATTGCCTCCGGTCCGCT  
ATTGAAGTATTGATTCCTAAAAATGTAGACGTTGCAACGGCTGCTTGATCTATACCTTCTTTTGTAAATTAACAC  
CTTTGATGAGGCTAGCTGTGTTCTTGAACATTTGCAATCCTCTTGCTCAGAATTTACTGGTTTTCTGTAGCTT  
ATTCATACTATTAATGATCCTAGTTTGAATGTCNGTCATTTATATTTACAAGGCTATGTATTTTCTCC

>trans\_c\_553 AF069324|Mesembryanthemum crystallinum 26S proteasome regulatory subunit  
S5A mRNA, complete cds

CTCCTTCAGTTCAATTACCTTCCGGCTTCTGCTGCAAGAAACCTCTTCTTCTCTCCGATTCTCTCTTCTCCTTC  
CTTTTCTTCTCTGTTTTCAATCTATCAACAATGGTGCTCGAGGCCACAATGATCTGTATCGATAATTCCGAATGG  
ATGAGGAACGGTGATTATGCTCCTTCCAGATTCCAAGCTCAAGCTGATGCCGTCAATCTCATTTGCGGAGCTA  
AAACCCAGTCTAACCCGGAGAATACAGTAGGAGTTCTTACAATGGCTGGAAAGGGAGTTCGGGTTTTGGTAA  
CTCCTACAAGTGATCTTGCCAAGATTCTAGCGTGCATGCACGGTTTAGAGATTGGTGGAGAGACAACTTGGC  
TGCTGGGATTCAAGTGGCTCAGTTGGCTCTGAAGCATCGTCAAAATAAGAAGCAGCAACAAAGAATTATTGTT  
TTTGAGGAAGTCTGCCAATCATGAAAAGAAGTTGTTGGAGATGATCGGAAAGAAATTAAGAAAGAACAAAT  
GTTGCTCTAGATATTATTGACTTTGGTGAAGAAGATGATGCTAAGCCAGAGAAGCTGGAAGCCCTTCTTTCGG  
CTGTAAATAGCAATGACTCCAGTCACATTGTTACGTTCCATCAGGTCCAAATGCTCTTTCGATGTACTTATTA  
GTACTCCAATCTTACCGGTGATGGGGAGGGAGGAAGTGGATTTGTCGCAGCTGCTGCTGCAGCTTCAGCTG  
GTGGGGCCGGTTTTGATTTTGGTGTGGATCCCAACCTAGACCTGAACTAGCACTTGCAGTTCGAGTGTCAAT  
GGAAGAGGAAAGGGCCAGACAGGAGGCAGCTGCTAAGAGGGCTGCTGAGGAGACTTCAAAGCAGGAAAAA  
GGAGGGGAACAGCCATCTGGCTCACAGGATACAACTATGAGCGAACGTGCTAGTGCTGAATCTTCTGATGCT  
CAGAAGACAAATGATCCAATGGAGGATGAAAATGCCCTGTTACAACAAGCCCTTGAATGTCAATGGAAGAT  
CCTGCCTCAAGTGACATTCGGGATACAGAAATGTCAGATGCAGCAATGGATCCAGAGTTAGCTCTTGCTCTTC  
AGTTGTCAGTGCAGGAGGAATCTAAAGACTCAACAAACCAGCCCGATATGAGTAAATTACTGGCAGACCAGT  
CGTTCGTATCGTCCATTCTTGATCGCTTCCAGGGGTTGATCCAAATGATCCATCAGTAAAAGATTTACTAGCT  
TCCATGCAAAGTCAATCAAAGCCGGAGGACAAGAAGAACGAAGAAAACCCACCGAAGGAAGACGACAAGTA  
ATCAATCCATCTTCAAAGTTGAATATCTCTGCTAGGCATTTGTATTTCTCCCATAAAAGTGTTGCATTGTGT  
GTTTTGATCA

>trans\_c\_554 U63373|Arabidopsis thaliana polygalacturonase isoenzyme 1 beta subunit homolog  
mRNA, complete cds

AACCCAACCATCCCCCGATCCCCCTTCTTGATCTTTCTCTCTCTCTGCTATTCTGCGCCCTACCCTCTTTTCTTT  
TCCCCCAAATGGTGAGGGGAAATTTGAAAATACTCTAATATTTCCACTATAAATTTCTGCACACAATTACAGCC  
GCACACCAACATTCTCAAATCTCACCCCTCCCTCTTCTTAGCTGGAATACAACTAAAATACAAACAAAATCTCA  
AAAGTAAATGCACAGATTACCCACGCTCCATGTGGTTCCCTCTATCTCTTTATCTTCTCGCTTTCAGCTCTCAAT  
GTTCTGTCAGTCGGCGACGAGGATAACCCTTTTACCCAAAAGCTTTTCTGAATCGTTATTGGAACAAGGAGG  
TGCGGAACGATATCCCAAACCCAGTTTTCTTCTCTCCAAGGCGTCTCCCTTGACGGCAGTGCAGTCCGCGGCC  
TTCGCCAAGCTCGCAGCCGAAAATGCTCTCTCTCTCGCCTCCCGACTTCTGCTCCGCCGCAAACCTTGCTCTGT  
TTTCTGATTTATCCCTTCTTTGGCCAAACACGACAGAGACTCCAACCTTTGCCGTCTATTCCAATAAGAACTTC  
ACCACTTACGGCACCCAAAGATCTGGTGAATCGACTCCTTCAAGAACTATTCCAATGGTGACAATGTCGTCTG  
TCGATTCCTTCAGGCGCTACAGCCACGAGGCCTTGGGCCACACCGACAGATTTTCCACCTACGGCACCGAAAC  
CAACGTCCCCGACCAGAGCTTTAACACTTATGCCTCCAAAGCCATCGGAGGGGACGGCAAGTTTCAACACCTAC  
GAACAATCCGTCAATGTCCCAAATCTCCGGTTACACACCTACTCCTCCGATGCCACCGGAAGATCTCAAGCCTT  
CAAAAGCTACAGCGAGAACGCAAACGCTGGAGATCAGTCGTTTGTCAACTATGGGAAACGTGGAAATGGGG  
GTCCGAACGAGTTCACTGGATACGGGACCAGCGCAAACGTCGTAGGCTCACAGTTTTCCAGTTACGGGACAG  
ATGGAAATGGGGCCAACGACACCTTACCAATTACGGCAACGATCAGAACAACCCACAGAATAACTTCAGGA  
GCTATGGCGAGGGTGGGAATGGAGCGATTGAAAGCTTTTCTAGTTACCGGGACCAGGCCAATGTGGGGGAC  
GATTCGTTCCAGTCCTACTCCAAGAACTCGAACTCTGCCAAGGTCAATTTGCAAGTTACGGGAAATCCTCTAA  
AGCCACCATAACCACGGAGTTGCTATCTGTCACCTGGACACCTCCGCCTGGAGCCCCGCTCACGGGGCCTTCA  
TAGCTCTCGGCTCCGCTCCCGGTCGGGTGCAAGTGTGCCACTGGATCTTCGAGAACGACATGACGTGGACT

>trans\_c\_555 Z82989|A.thaliana mRNA for FCA gamma



TGTTTGAAGTACATGGAGATATTGTTGAGATTGTAATATTAAGGGATAAGATAACTGGCCAACAACAAGGCA  
GTTGTTTTGTGAAATACTCTTCCTCCATTGAAGCAGACAGGGCAATCAGAGCTTTGGACAACCACTATACTTTT  
CCTGGAGAACTGACTCCCATCAATGTAAATATGCTGACAGTGAAAAGGACCGCCTGGGAGTACTTGAAAAA  
TTGTATGTTGGTAGCTTGAATAAAAAATACTACAAAAAGGGAAATTGAGGAGGTATTCTCACCTTATGGTTTCG  
TTGAGGATATTTACATCATACGAGATGACCTGAAGCAAAGCCGAGGATCTGCCTTTGTAAAGTATGCTCGAAG  
AGATATGGCATTGGCAGCAATCAAAGCATTGAATGGCAATTTTACGATGAGAGGTTGTGATCAGCCATTGATT  
GTTTCGTCTGGCAGACCCTAAGAAACCCAGGATTGGTGAACAAAGAAGCAGCAACGTATCAGGCAGCCCGAGA  
TTTGGTCATCATCTCAACCGTTTAGACCTGAGCCTCCTGTTGGTCCTGCTGGAGGGTGTTTTCCAATAATTCA  
TACCCGGGACAACAAAATTCTCCAAGTTTAGGACCACCTAGGAATGCTTCCAAGCGGCATCCCATAACCCCTT  
TGCTCCTAATAGCATACAGAAACCATCCCCCAAATACAGGAACCGCCATCATCTTTGCTCAAATGTCATCAC  
AACCAATGAGGTCAACACAGCAAGTTTGTGAGCCTCCTATTGAGACTGATTTTTCTAAGATGCAGAATCAGGT  
GCCTTGTAACAGCCCCGGCAAGATTCACATCAGCAGCAAAATTTACAGCCTCCTGCTGTACGTGGTGTTCAG  
ACCTTTAGTTGTACTTCCGACTCACCTATGGGGCGTCCAAGCTCTCGGGTAGAAGTTACTTTGGAGTGTGATTG  
GAGTGAACACACCTGCTCAGACGGTTTTCAAATACTATTATACTGTGTACCCATGAAAGCTTGTGGGAGAAG  
CCAGAAGAGTTTGCCTTGTTTGAGAAACAATAAGCAGGAAAAGCTTCAAAAACCAACCATCAGATTCATT  
CTTCATTACCGGGTGTCTCTTCTCAAGAAGTGCCGCCTCAGCCAAATCTTTTAGTCAAAAACCTTGACGCCCAAT  
ATTCTCAGCTGTACGAGAGTTGGATTGTATGCGACTTCAATCAAAAGCAAGTCCTGTTGTTAGTCCAGCGTGT  
GTTTAACAGTGTTGCCAAAGCTATAGTAAATACACTGAATTACGATGGTAACAAAGACTTCATGTTAGCTGCTC  
GACTCGTAGCCAAGGCAGTTTTTTGATTGCTCGTGTAAGCTGATGTACTATATAGTCTACTGGGTATGTCAAT  
G

>trans\_c\_556 FJ438462|Populus trichocarpa ubiquitin mRNA, complete cds

CTTCTCTATACGTCATATTCATTTCTTCCAAGATGCAAATCTTCGTTAAAACCCTAACCGGTAAGACAATCAC  
CCTTGAGGTTGAGTCGTCTGATACGATCGACAACGTCAAGGCCAAGATCCAGGACAAGGAAGGGATTCCCCC  
GGATCAGCAACGTCTCATCTTCGCCGGTAAACAACCTCGAGGATGGCCGTACCTTGGCCGACTACAACATCCAG  
AAGGAGTCCACCCTCCACCTTGCTCCTCCGTCTTCGTGGTGGCATGCAGATTTTCGTGAAGACCCTGACCGGAA  
AGACCATCACCTTGAGGTTGAGTCGTCTGACACCATTGACAACGTGAAGGCCAAGATCCAGGACAAGAAG  
GCATTCCCCCAGACCAACAGCGTCTTATCTTCGTGGAAAGCAACTCGAGGATGGCCGCACTTTGGCCGACTA  
CAACATCCAGAAGGAGTCTACCCTCCACTTGGTCTCCTCCGTCTTCGTGGTGGTATGCAAATTTTCGTTAAGACCC  
TGACGGGTAAAACCATCACCTCGAGGTGCAATCCTCTGATACCATCGATAACGTCAAGGCAAAGATCCAGGA  
CAAGGAGGGAATTTCCCCCAGACCAACAAAGACTCATCTTGTGCTGGTAAGCAATTAGAGGACGGCCGTACCCTT  
GCCGATTACAACATCCAGAAGGAGTCCACCCTCCACCTTGTGTTGCGTCTTCGTGGTGGTATGCAGATTTTCGT  
CAAGACGTTGACCGGAAAGACCATCACCTAGAGGTTGAGAGCTCTGACACCATCGACAACGTCAAGGCTAA  
GATCCAAGACAAGGAGGGAATCCCACCAGACCAGCAGAGGTTGATCTTCGCTGGAAAGCAGCTTGAAGATG  
GAAGGACTCTGGCTGACTACAACATCCAGAAGGAGTCAACCTTGCAATTTGGTGCTTCGTCTCCGGGGTGGAAT  
GCAGATTTTTGTTAAGACCTTGACCGGAAAGACCATCACCTTGGAGGTGGAGAGCTCCGACACGATCGATAAT  
GTGAAAGCTAAAATTCAGGACAAGGAAGGCATCCCTCCGGATCAGCAGAGGTTGATCTTTGCTGGGAAGCAG  
CTAGAGGATGGGAGGACTCTCGCTGATTACAACATTCAGAAGGAGTCCACCCTTCACCTTGTCTGCGTCTCC  
GTGGTGGATTTTAGATGGTGGTGGATGTTGTTGGGTGTTGGTGATTGTCTTTGAATGATTCTGAATGTTAAT  
GTGTTGAAGATTTGGTACTTGGAACAGCTGCCTGTAGGCCTATTATTGCTGTTGAATAAAGTTGATTTCCCGA  
AATGTTTATGTTTTTGTGTTATGTGAATGTTGCTTATTTCTCAAATGAAATGAACATCGTAATGGTGAATTGCAT  
TGTAATA

>trans\_c\_557 NM\_117871|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT4G17620) mRNA,  
complete cds

AGTCATATTCCACTGAAAGCCCGTTCACTCCTCTTCTTCCCTCCCATCATAATTCCACCTCTTTTCTTCTCATAATC  
TGATCGGAACCATCGCAATTCGCTGCCCCGATTGCCGGGTTTCATCCCTCCAATGGATTTCCCCGAGCAAGAT  
GTAGATATATTGGCGAAGAGTATGGAAACGACGACGACGACAACAACCACAACGACCAACGACCATGAC  
CGCGATGCTCCTGCCTCATCTTCGCAATCTTCTTCTCTCGGATTCTTCTCTTCTCAGATTCTCATCGTCTAA  
TGCTAGCGATGGAGGCGATAGCAGTAGTAGTGGGAGTGCGAGTAGTGCTGAAGAAGACGACCAGGAAAAC  
GGCGGGGAAGTACAGCAAAATGTGCACAGGGGTTCTTATGGGTATGAAGATAGAGATCTGTTTGTTCTGAT  
AACGAGGATTATTGTAAGACACTTGCTGTTAGTCTTTTTCAGTTCAGTCTTACCTGCAATAAGGAATAACGA  
CCACCATGCTAGAGGAACATTTGGTCGAGGTCGTTGGGGGAATCAGAATGATAGAGGATCAGGCCTCCTTCC  
ACGGCCTGGACCTTATCCTCAAAGGCATGGCTTTGGTGGCTATGGATCAAAGTTTTCAAACGGCCGTCATCAT  
GATGAACGCTTCGTCTCAGATATGAAGCTTACTAAAAGTGAAGAAACACTGGCGAGAAAGTGATTGCTTTCC  
AGGAGCCTTGTGAGCTTGCTTGTATAGCCGTGTAGAAGGTGGAGATGTCTACTTTGATGACCGTAGTTTGAG  
ACTGTTTAAGCGCTTTATTACTGAGGATATTGGAGCTGATTTGAATGAAGGTTTTGACACTTTTATTGAAAAGA  
AAGACTTAGGTTCTCAGGGTTTTGGTGACCTCCTTGGCTGCATTAGGGACAAAAACATCCCTCTTCAGAATATT  
CATTTTGTGACTTTCCGCAACAATCTTAACAAGATATTGGCTACTGCTTACATTTCGTCATGAGCCATGGGAAAT  
GGGTGTGCATAAAAGAAATGGTGTTGTATACCTAGATGTTCAATAACTACCAGAAAGACCACAAAGTGAAAT  
GGAGCGTAGAAGGTGCTATTGGGGTACTGTTTTGAGAACCTTGCTACCGAGGATCCTAGAAGAGGTAATGG  
AGAAGGGATCCATCATGTGGATGCAAAATGCTGAATATTGTGCCGTGATTAAACAAAGTTAGGTGCTCATCGC  
ATTCTGATGGGTGCTGAAATGGATTGCTGCGATTCACTGATGAGGGAAGGAGTTTTATGTTGAACTAAAG  
ACAAGTCGTGAGTTGGATCAGCGTACTGAAGAAAGATATGAAAGAGAGAAGTTGCTTAAATTCTGGATACAA  
TCGTTT

>trans\_c\_558 FJ805314|Heptacodium miconioides DIV2B (DIV2B) mRNA, complete cds

TCTTCCTCAATCTTCATCACTGCACTCAAGATTTCCACCATGTGAGCACACACAAAGAACTTCGAACTTCTTCTT  
TTACCTTACCTTTGGCTTCAACTTGCTCTTTCCCTTTCTCCCCTCTCTCACTCCTCTCAAATCCAATTCTTTCCCGC  
CTTTACATCATCATTCACCCCTTTTCTTTTTCTCACTATTCTCGAATCCCTTCCTCATCTTCTTCCACTGCATTTT  
CTATTCACTTTCTTACTTCAATTTGCTTGGTGGGTTTCAATCTGAGTGTTGAAATTCACCCGATTTTCCCATTAAA  
CAAATGGGAGAAAAAGAAAAAGAAAAAACCACAAAAATAAATGAGCTCAGGGGGTGGTTTTAGTTGTT  
TTTTTGCATTTTTTTCATTTTCCCCATGATTCTTTTCGATTCTGAAAAGTGGGTTTCTCTCTTTTTTTTTAAAG  
ATTCTTTAGCCATTTGTGAAAGGAGATTCTTGATTCTCATGTAATGATTCCGAATTAAGCGCCCCCTTTTTGAA  
AAATCACTCAAAAAGCTTCAATGTCTCTTGGCCTTTAGCCTCTGTATCCGTCCCCTTCTCCTTCTTTTCCCCTTTCT  
TTTGACTTCAAAATCAAAACCCCTTTTGAATGGACTTATAAATGAGCTGTTAAGGCACACCCTTCACAAAATT  
AGCTCCTCATAGACACTACCAATGGAAACCCTGTATCCATCTTCACATCTCTCGAGCTCTGCTTGGTTTGTGCTT  
GATAATCCAAGCACAAAGTGGACTAAAGAAGAGAACAAAGATGTTTGAGAGTGCTCTTGCTATATACGATAAA  
GAAACACCTGATAGATGGTTCAAAGTAGCTGCTATGATCCCTGAAAAACTGTGAGTGATGTGATTAAGCAAT  
ATAAGGAGCTTGAAGAAGATGTTTGTGAAATAGAAGCTGGGAGATTCCCAATCCCAGGTTATGATCTTGCCTC  
TTCTTTTTCATTTGAGTTTGTGATGATCGAAATTCGATGTGTATAGAAGGAAATCTTCTGTTGGTAGGGGCT  
CTGATCATGAAAAGGAAGAAAGGGTCCCATGGACAGAGGAAGAACACAAGCAATTTCTACGGGGACTTTTGA  
AGTATGAAAAGGGGATTGGAGAAACATCTCAAGAACTTTGTGAACTCCAAAACCTACACAAGTGGCAA  
GCCATGCTCAAAAGTACTTCATGAGGCAGCTTTCAGGAGGGAAAGACAAGAGAAGGCCAAGCATCCATGATA  
TCACGACTGTTAATCTCACAGAGCCCACAGCATCAGAGAATGAGAAGTTATCTTCAATGGATCAATTTTCAA  
GCTTCCTTCACTGCAGAAGTCACCTTGCTATCAAAAGCTTTTGTGTTGACTGGAACCG

>trans\_c\_559 NM\_119094|Arabidopsis thaliana aminopeptidase/ manganese ion binding  
(AT4G29490) mRNA, complete cds

TCAACTCTTGAAGCCACACTCCCATGGCTTCGCCTTCACTTCTCACTCCTCCGCCGGTCCCGGTGGAGCTTTACG  
TCACCAATAGACAAAAGCTACTTAAATCCTTCCGCCAACACCTTTCCGACTCCGCCCCTCTCTCCAAGGCATA  
GTGTTGCTTCAGGGAGGTGATGAACGGACGCGCTACGATACGGACCATCTCGAACTCTTCAGGCAAGAGAGT  
TATTTTGCTTATCTGTTTGGAGTCATAGAGCCTGGATTTTATGGTGCTATTGACATTGCTAGTGGAAGTCAAT  
TCTGTTTGGCCCAAGCTACCTCCTGACTATGCTGTCTGGTCGGGAGAAATAAAGCCTTTGTCATATTTCAAGG  
AAAAATATGATGTCAGTATGGCATATCATACCGATGAAATTGCAGCTGTTTTGCACAACTATACCCAGAATTG  
GAGAAACCGTTACTATTCCCTCTTACATGGGTTGAATACTGATAGCAAGAATTATGCAGTACCAGCAAATTTTGA  
GGGGATCGATACATTTGTAAGTATTTGAATACCTTGCATCCTATTTTACTGAATGTCGTGTCTTGAAATCGG  
AACTGGAGCTTGCTCTTATTCAATTTGCCAATGATGTTAGCTCAGAAGCTCATGTTTCAAGGTTATGAGAAATATC  
AAGGTGGGCATGAAAGAATATCAACTGGAAAGCTTATTTCTTACCACACTTACATGTATGGTGGATGTAGGC  
ACTGCTCGTACACCTGCATTTGTGCCACTGGAGATAATAGTGCCGTTCTTCACTATGGACATGCAGCAGCTCCA  
AATGACAGAACTTTGGGAAGATGGTGACATTGCTTTGTTGATATGGGAGCAGAATACCAATTTTATGGATCT  
GACATTACTTGTTTATTCCCTGTGAATGGTAAATTTACAAGTGACCAGTCGCTGATATATAATGCTGTCCTCAA  
GGCTCATGATGCTGTTATATCAGTTATGAAACCTGGAATAAACTGGGTTGAAATGCACAAATTAGCCGAGAAG  
ATTATTCTTGAGTCATTGACTGAGGGTCTGTGCTCGTTGGAGATGTAATGGACATGATGGCTGAGCGTCTCG  
GGGCTGTTTTCATGCCACATGGTTTGGGACATTTCTTGGTATCGATACTCATGATCCTGGAGGTTTTCTTGCAG  
GGTTTGAAAGGCCGGAAGGACCGGGCTAAATTCCTTACGCACAGTTCGAGATCTTAAAGAAGGAATGGTC  
ATCACTGTAGAGCCTGGATGCTACTTCATTGATGCATTACTAGACCCGGCCATGGAGAATAGTAAACCTCCA  
AATTTTTCAACGTAGAAGCAGTCAACAGATTTAGAGGGTTCGGCGGTGTTTGAATTGAAAGTGATTTGC

>trans\_c\_560 tpg|BK005805.1|TPA\_inf: Lotus japonicus class III HD-Zip protein REV1 gene,  
complete cds

AATGAATTTAAATATTTATACTTGTCTTTAAATAACCAACTAAAAAGAACTCTAAAAATAGTGGAATGTGAG  
AAAGGATGAAGGAGAGAAGTAAAAAGTCATGTAAGGGTATAGTTTGGGAGATTATTATGGTACTAGGCTAT  
AAATAGTAGGAGTGGAAGGAGTAGGTAGATACTATTTTGGTGATTCTGTCACGGTTTCCCTCAAGTTACACT  
ATGCTTCAAATCTAAAGTCATTTCTTAAATCTAAATCATTATAATAACTGCCGATATGTACTAAACCTGTACAA  
GAAAATTAATTAACGAAGTACAAGAAAATACAACCTTCAAACAAAAAAGTAAAAAATAACAAAGACAAAGT  
ACAGAACATTCAAACAAAAATCCAACAATGGAGATAAAAAACACCTTCAAGAAATATGCATCAGTAAACATG  
TTTCTTTTATTCACTACCTTTTCACTCCCCCTTGCCTGATTCCATGGTTTGGGTTGACCCTCCTTATCAATTTAG  
AGGATTACTATATATTGTTTACAATTTCTACTGTAACTTTTCAATGCAATATCATTTAATGCTTCTGTTTACGGA  
TGGCCTGAAATCCACATGGTTTATCTAATCATTTTCTTCTAGTTTTTGTAAAGAAATTTCTGGAAAGGTAATTT  
AAGTGTAGCTCTCTTTATTGGGAAGGTAATTTCCATTTTCAAGATTTAAGTGTAGCTCCCTCAAGGCCTGCTTG  
GTTTGCAAACATGAACATGCTGCGACTACAAACCATCCATCAACATAAATTACAAGACAATTACACATAAATTA  
CAAGACTATTATTAAGTTCATTTTTTGTTCAGTTGGGTGTTTATTTAATTTAATTTTACCTTGAGGGAAC  
AGCAGAGAATTGCATCCTGATGATTCCGTAGATGTTTCAACACCGAGTCACCATCCACACTCTCTGATGTTACC  
AACTCTGTTCCATATATGGCATCTGAATGATTATAAACCAAACAAAAACAAGTGATTTTCAAATTTTTCTTTA  
ACTTTTTTCCAATATAGTTTGGGTAAAAAAGGCCTTTGGAAGATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTGTTTTTA  
AATGTTTTCCAATTTTTTAAATTTTCAAAGCTACTTAGGGGTACAAGAATAAATGCAAGAAATTGGAAGGTTA  
AATCACAACAAAAATAAAGTAAAAATTAAGCCACACCTAACTAAATCTAAAAGCTAAACACATTAAGCTTAG  
AAATTAATGTATGTGGGGCTAGAAGGATAAACACAACCAGGTTTGAAACAGTCGAACACCTCCACGCCTCTTT  
ACCTTCAGATTGGAATTGGTCGAGAGCCCAACATCCCCAACTCAAGAACCCTAAA

>trans\_c\_561 NM\_129500|Arabidopsis thaliana esterase/lipase/thioesterase family protein  
(AT2G39420) mRNA, complete cds

AGGGCCAAGTAAAAGGGTAGGGATGTTTCTAAAGTCTATAAATAGAGATTTTAAAACACCAAAATCCAACCTC  
TCTCTCAGGAAATCAAAAACCCCTTTCTATTCCGATTCCCAAATCCCAATTCCCAACTCCCAATTCCCAAATTC  
CCAATTCTCAATTCCAATCATTTATTTATTTTATAAATTAAAACCCATTCTTTAATCCCTTCTTCCCTAATTC  
CATTAAAGCTCTATCTATCTATCTCTTCTTTAAAAATCCCCCTTTTCTCCTTCCCTCTCTCAACAAGTCTTCT  
CTTTTCTCCTCATACCCCTTCCCTCACAGTAATTTCCCTCTCTAATCCCTTCTTTTCAACTCTAATCTTCTCTC  
GACTTCTCTGTTCTCACAGGCAATGGACACCGAGAATGTAAGATATCAAGAGGAAGTAATAGAGAATGGACG  
TGGGTAAAGTTGTTACGTGTAATTGGGTTCCAAAGAATGAAGAACCAAAAGCTTTGATTTTTCTCTGCCATG  
GGTATGCCATGGAATGTAGCATCACAATGGACAGTAGTGCAAGAAGGTTAGCAAAGAAGGCTATGGAGTA  
TATGGAATTGATTACGAAGGACATGGAAAATCTAGTGGATTACAAGGCTATGTTTCAAGTTTTGATAATGTGG  
TGGAAGATTGTTCTTCTTTTCACTTCAATATCAGAAAAGAAAAGAAAATAGAGAGAAGAAAAGGTATTTAAT  
GGGAGAGTCAATGGGAGGAGCAGTGGCTCTGATGATACACATAAAACAGCCTGATTTTTGGGATGGTGCCAT  
CTTGTTGCCCTATGTGTAAGATTGCCGATGAGATGAGGCCAAATCCATTGGTGATAAGTTTCTTAACAAAG  
CTTTGTAAAATTATTCCAACCTCAAAAATTATTCCAACCTCAAGATGTCATCGACTTGCCTTCAAACCTCCCTCAA  
GTTAGGAAACAGATTAGGGAAAATCCATATTGTTACAAGGGCCGGCCTCGGTTGAAAACCTGGCTATGAACTCT  
TGAGAGTTACTGCATTACTTGAGAATAAACTCAATGAGGTGTCTCTACCTTCTCCTTCTCCACGGTGAAGAC  
GACCGAGTTACAGACAAATTGGTTAGCAAACAACTCTATGATGAAGCGGCGAGCGACGACAAGACGTTGAAT  
ATGTATCAGGGAATGTGGCACGGTTTGTGTATGGCGAGACGCCGAGAATGTGGACATTGTGTTCTCAGAC  
ATCATCGGTTGGTTGGATAAGAGGAGTATTGATGAAAATTTAAAATCAGAACTTGAGAGGAAGAAAGAAAAT  
GATGGTTTATTGGAAGCCACGAAATAGCAAGAAAGCTGATTAATGATGGGTTGTGTTAGT

>trans\_c\_562 NM\_001068010|Oryza sativa Japonica Group Os08g0295300 (Os08g0295300)  
mRNA, complete cds

TCCATAAATTGCAATCCATGGGTTCTGCAAACCTGCGTGAGCATGTGTGATATTCTTCAGTATGAATTTCTTCAC  
ATATTTTGGCAGAGTGAATTAATCGTCCCATATATGGCCATGGAATGCTTGGTTTGAGCTCATTTTTAAATTATT  
GGACAGATAGAGAAGCAGGAATTTGGATTGAAACCAATGAATTGTCCTGGTCACTGTTTGATGTTCCAGCATA  
GAGTTCGTTTCATATAGGGAACCTCCTCTTCGATTGGCTGATTTTGGGGTTCTGCATCGCAATGAGGCTAGTGG  
GGCATTGACTGGATTGACTCGTGTGAGAAGGTTTCAACAGGATGACGCTCACATTTTTTGCAGGGAGTCCCAG  
ATAAAAGATGAAGTAAGGGCCGTCTTAGAATTCATCAAATATGCTTATAACATTTTTGGGTTACATTTGAGCT  
GAAGCTATCTACGAGGCCTGAGAAATACCTTGGTGATTGAAACGTGGGAGAAGGCTGAAGCTGCACTTAC  
AGAAGCACTGAATGAATTTGGGAAACCTGGCAGATCGATGAAGGTGATGGTGATTTTATGGACCAAAGAT  
AGATATTAGTGTATCTGATGCATTGAAAAGGAAATTTCAGTGTGCAACCCTCCAGCTGGACTTCCAACCTCCGA  
CACGTTTTGAATTGTATTACTCTGCAGAGGACGAGGCTAAGAGGGAACGCCAGTTATGATTCACAGAGCTAT  
CTTAGGTTCTGTGAGCGGATGTTTGCTATTTTGTGGAGCACTACAAGGGGAAGTGGCCTTTTTGGCTCAGT  
CCACGTCAAGCAATTGTTTGCCTGTATCAGAGAAATCCAGTCTATGCAATGAAGGTGCGTGATCTAATTCA  
TCATGCAGGTTATTTTGTGATGTGGATGTGACAGACAGAAAGATCCAGAAGAAAGTACGAGAAGCACAGTT  
GGCACAATATAACTACATACTGGTTGTTGGTGAGGAGGAGGCCAACACTGGACAGGTGAGTGTTGAGTGAG  
AGATAAGGCTGATCATTAGTGATGAGTGTTGAGAGCTTGCTCAACCACTTCAAGGAAGAAGTTGCAGCTTTT  
CATTATAAAATTTATTTCCGAGGCAAACAAAGGCCGTAACCTACCAAATTTATTTAGGTTAATCGATTTTTCTTT  
TTAAACAATACAGAGGGTGATTTTTCAAGGGGAACCTCGATCCTTACAAATTCGCATGGGTAAGTTTGAGTTTG  
TATTGCTTTTCAGTAGTTTTTCCCTCAAATCATCAATACTGTTAAGGGCAAACCTACATTTTCATGAAACAA  
TGTAACAAACAGCTTCTGAACTTATTAATTTCAACGAAATTCAAATCCTAATAACAAATGCAGTTACTA

>trans\_c\_563 EF672638|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 12 (FLA12)  
mRNA, complete cds

CTCCTCCTTCCTCTGTTTCTCTTTCACCTTTCCCATGGCGCCTTCCAAATCTCTTCTCCTCTTCCTCGCCTTCGCC  
GCTACTGCAGCCATCGTCTCCGCCACAATATTACCGACATGCTCAAAGACTACCCTCAGTACAGCGTTTTAG  
CAATTATCTCCAACAAACCAGACTCGCCGACGAAATCAACAGCCGTCAGACCATCACCGTCCTCGTCGTCTCTA  
ATGGCGCTCTCTCTCCCATCCTCGACAAACATCCTCTCTCCGTTATCAAAAATATCCTCAGTCTCCACATCGTCTT  
GGACTACTACGATCCCGCGAAACTCCACAAGATCTCCAACGGGACCACTCTCTCCACTACGCTCTACCAAACCA  
CAGGTCATGCGCCAGGAAATCTAGGTTTCGTCAACATTACCGATCTCCAAGGCGGTAAGGTGCGATTTCGGCTC  
CGCCTTACCCGGATCTAAACTTGAATCGAGTTACACGAAGTCGGTTGTGAGTATGCCATACAACATTTTCGGTTA  
TTGAGATCAGCGCACCATTGTAGCGCAGGGGATTTTGACAGCTCCGGCTCCCTCGGCTTCCGATGTTAACAT  
AACGGCTTTGCTCGAGAAAGCTGGATGTAAGACGTTTTCGTGCTGATTGTTTCTAGCGGTGTGATTAAGACT  
TACGAATCCGCGGTTGAGAAAGGATTGACTATTTTTGCGCCGAACGATGAGGCGTTTAAAGCCGATGGAGTT  
CCAGATCTGAGTAAGCTTACTAATGCTGAGGTTGTTTCGCTTCTTCTATACCATGCTCTGCCTGGGTACACTCCA  
ATCGGCACATTGAAGACGACTAATGATCCACTCAATACTCTGGCTACTGGAAGTGCCGGACAGTTTCGACATTA  
CCACGACTACTGACGGAGATGCCGTTACTCTCCACACCGGGGTTGGACCATCGAGAATCGCCGATACAGTCCT  
GGACTCGACTCCACTCGCTATTTTCAGCGTCGACAGTCTGTTACTCCCTCGGAGTTGTTTGGAAAGTCTCCTTC  
TCCGGCGCCAGCACCAGAGCCAGTGAGTTCGCCTTCTCCGACGCCGTCTTGTCTCCGAGTCCAAGCCCTAGC  
GCGAAGGCTCCGTCTCCGATCGCGGCGTCGCCACCTGCTCCTCCATCCAACGCGACGGAGGGTTCTCCAGCAA  
ATGCGCCTACTGCGGAGGCGCAGACTAGCACTCCGGGAAGTTCCGCCGGCGGGGTGAAAGCTTCGGGTATG  
GAGGTTGTTGCCGCCATTGCTGCTAGGATTGCTTCTCCCTTTTATTGTCCTAAATCGAAGTTTCCCTCGCATC  
AGCAGTTTCCTTATTTTAGTTTTAATTTAATTTTATCTATTGTACTTCTATTGATATGAATT

>trans\_c\_564 U25027|Glycine max phosphatidylinositol-specific phospholipase C mRNA, complete  
cds

GGATTTAAACAAAACAAAAAAACCTATATGTTCATTTTGGTAAGGTTGAAATAAAGAAAGGTGGAACATGT  
ACGAGAGGAATTCTCCAGAGGTTATTCAAGGTTAGAATTATTTTCGTTCAAAGGCTCTTAAGTCAAAGTTCTA  
ATGGGAGCTCATGGTGCAACGGTGACCTACAGAGTGTGTTTCTGCTTCCGCCGGCGTTTCAAGATGACCGCCG  
GCGAAGCCCCGACGAGATCAAGAAGCTTTTACGAGTATCCGAGAATGGTATCATGAACCCAGATCATCT  
CCAGAGATTCTTGATCGATGTTTCAGAAAGAGGTTAATACCACCAGAGACGATGCTCAGAACATGATTGAACGT  
TGTTACTAACGAACTCAAGCATTGAATATCTTTCATCGCAAGGTTCTTAATCTTGAAGCCTTCTTTAAGTATCTC  
TTCAGCGATCTCAACCCTCCTCTTGAGTCTCTTGGGGTGACCATGATATGAGTGCTCCCTGTGCGATTATTAC  
ATATATACAGGACATAATTCGTATTTGACTGGGAATCAGCTCAGTAGTGACTGTAGTGATGTGCCTATCATACA  
AGCTCTACAGAGAGGAGTTAGAGTAATTGAATTGGACATATGGCCAAATTCTTCAAAGGATAATATAGATGTT  
CTTCACGGCAGGACACTTACTACCCCTGTGGAGCTTATTAATGTTTGAAGTCTATTAAGAGTATGCTTTTGT  
TGCATCTGACTATCCGTTGTAATAACATTGGAAGATCATCTTCCTCCTAATCTCCAAGCTAAAGTGGCAGAGA  
TGGTTACGAGTACATTCGGAGACATTTTGTCTCTCCTGGCCCTGAATGCTTGAAAGAATTTCTTCTCCTGAAT  
CACTAAAGAAAAGGATTATTATATCAACCAAACCCCTAAGGAGTACCTTAAGACCAAAGATGTTCCCTAAGGA  
TGGTGAGAGTGAGTCACAGAAGGAAAAGAATTCTGGGAATAATAAAGAAACATCAGCATGGGGAAGGGAA  
GTGTCAAGCTTGAAAGGTGGTACTGTGACTGACTACAAGCAAGATTTGGATGATGACAGTAACGATGAAGAA  
GATACTGAGGATGGAGATCCCAAGTCTACAGAATCTCCCACTATATTGCTCCTGAATATAAAAGTTTGATTGC  
TATTCATGCGGGAAAGCCTAAAGGTGGAATTGATGCATGCCTCAGAGTGGATCCCGACAAAGCTAGACGCCT  
GAGCTTGAGTGAGCAACATTAGAAAAGGCAGTGCTTACTCATGGAAAACAAATTGTAAGGTTTACTCAGAAG  
AACATTTTGAGAGTCTATCCAAGGGGATCAGATTTGACTCGTCTATATATATGGGTTACTAACCCACCTG

>trans\_c\_565 AJ971811|Pisum sativum mRNA for SNF1-related protein kinase regulatory beta  
subunit 1 (akin beta1 gene)

>trans\_c\_566 AF213968|Nicotiana tabacum S-adenosyl-L-methionine Mg-protoporphyrin IX methyltransferase (Chl M) mRNA, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

>trans\_c\_567 AF527943|Gossypium hirsutum class VII chitinase precursor (Chia7) mRNA, complete cds

>trans\_c\_568 NM\_112160|Arabidopsis thaliana EMB2769 (EMBRYO DEFECTIVE 2769) (EMB2769)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_569 NM\_121974|Arabidopsis thaliana STT3A (STAUROSPORIN AND TEMPERATURE SENSITIVE 3-LIKE A); oligosaccharyl transferase (STT3A) mRNA, complete cds

CAAAAGAACAACCTCTATTAGTCCAACTTGCTCTTTAATAGCACTTAAAATAGGCTACTATCTTTATTGCTTCTT  
GCTTTCCTTGCTCTCCATTTCTCCAACAATATTTATTTACTGATTTGGTTTTCTGGTTTACGGGGTGTTGTAGGTT  
CATTGTGTCTGGGCAGCAGCAGAAGCTTATTCAGCCCCCTTCTATTGTTTTAACTTCTCACTCCCGGGATGGTCTC  
CATGTTTTTGATGACTTTAGAGAAGCTTATGCATGGTTAAGCCACAACACTGAGGTTGATGATAAAGTTGCATC  
ATGGTGGGACTATGGCTATCAAACTACTGCTATGGCTAATCGTACTGTCATTGTCGACAACAACACCTGGAAC  
AATACCCACATTGCAACTGTTGGTACTGCTATGTCTTCTCCTGAAAAGGCAGCCTGGGAAATTTTCAACTCCCT  
GGATGTAAAATATGTGCTTGTTGTCTTTGGAGGTCTTGTTGGATACCCAAGTGATGACATCAACAAGTTCTTGT  
GGATGGTTCGTATAGGAGGTGGTGTATTTCTCATATCAAGGAACCGGATTACTTAAGAGATGGTCAGTATCG  
CATTGATTCTCAGGCCACTCCAACGATGCTAAATTGTCTCATGTACAACTCTCGTACTACAGGTTCTGTTGAGA  
CTGATGGTAAAGGATTTGATAGGGTGAGGCAGACAGAAATTGGGAAGAAATATTTTAACTTTACATTTTGA  
AGAGGTCTTCACCACTCACCATTGGATGGTAAGAATCTACAAGTTGAAACCTCCAAAGAACAGAATCAGAGG  
GAAAACCAAAAAATCAAAGACAAAATCCAGCTCAACTACCAGTTTGAAGAAAGGAACAAAAAAGAGAAA  
TCCATGGCACTGAATGATCAGCTGACGAGAATGGGATAACGTTCAAAAAGCATGTAAGCTACATATATAATTG  
ACAACCATGGCAGGTACCTTTGAGGCATAGTGATAATTTTCTTGCGGACAGCGAAATTTTGTAGTCTTATCATA  
TATTTTCCATTTCTATATGCCACATCTAACAGGATCTAATTGAAATATCAGGCTGATAGATCTTTTCACGCA  
CTTTTCTGGGGTGTTTATTCATCAAATTTCTCATCTCTTAAATGTCATTTAACCTACGAAGTTTCGATTCTGCCTA  
GATAGGTAAAGCCTAACGAGAACAATTTCTATGAGTGATAAGTTTTTCTTCCATTTAGGCTGGAAATTTCCATT  
CTCTTTTCTGTTCCACGACTTAATTTTGTGCAATATATATAAAAAACAATAGATTCTGTGTTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_570 AY039605|Arabidopsis thaliana AT3g50910/F18B3\_190 mRNA, complete cds

AAATGATGCAAAATTGACTGAGGGTGCTTCTGTCACTGTTACCACACCTATTCCAGACAAACATGGAGACAGA  
AATGGTCTAGATTGTGCTAGTAGTAGTAATATTGGTGAAAATGGGTGTGTTGATGGTGATCATGGTGCTACAG  
CCGTTCAACTTGTAAGCAGTCACAACAATCATGAAAGCAGTATACTGACAAGTAGTGGTATTGCTCAGGAAAA  
GGATTCAATTGAAGGTTGTGTCAAATTCAGAAAGTACTGGAGATAATGAAGACTTCTTTGATCCACACGATTCTT  
TGAGTGTTGCAAGTAACACGGATGGAGAGGATAACGGTTTTGAACGTTCAAGTTTGGTACTCCTATGG  
GTGAATTTTATGATGCTTGGGAAGAGCTTTCCTCTGAAGGGGTGCCACAACCATCCATTTCTGATATTGAACCC  
GATCAACGTGAAATGAGACTATTGATGGAAATAGAGAAACGAAAGCAGGCCGAGGAAGCACTGAATAAATT  
GCAGTGCCAGTGGCAGAGGCTCAGAGAACAGCTATTGCTTGTAGGATTGACCCTTCCTTCAGATCCCACAGTA  
GCCACAGAAGGGAAGCAGTTAGATCCTGACCCTGCTGAAGAATTGTGCCAACAGTTAATCTTGCCAGGTTCTG  
TGTCAGAATCTATTGGGAAGGGTATAGCGAGGGCAGAGGTGGAGGCTGAGATGGAGGCACAGCTTGAAGTC  
AAGAATTTTGAATCGCTCGATTGCTGGACCGGCTCCATTACTATGAGGCAGTGAATCATGAAATGTCCCAGA  
GGAATCAAGAAGCTGTAGATTTGGCACGGCGCGAAAGGTTGAGAAGGAAAAGGAGGCAGAGATGGATCTG  
GGGTTCAAGTTGCCACTGCAATCACACTTGGCACTGCAGTCTTAGCTTGGTCTTACCTTCATCAGGAAAAGATT  
TGCCATCCAGCAACAATTCGAAGGCCGAGCATGACGATGTAACAGATTGATAACCGCTGACACAAGACTTAGC  
TTATGTACCGTGTTATAGAAAGGAAAAATAAAAGGAGCTATACAGCCAATCATAATGTGGTGTAAATGTTGAT  
ATCAAAATGTTGCGTTTGTGCAAGTATTCTCATCCCCAAGGTATAGCTCTTATAAATTGTCGGCCCCCTATAATT  
AAAGGTGAAAGGGGTTGATTCTTGATATTCTTTTCTATTTTTTCCAGATCTAACAGGGGTTATAACACCTGAA  
ATTTTGGCAATGTCATGCAATGAATGATATACAGACTGTTTACTACTAACTGTAGTTGAAATATTTCTTTGAGC  
ATCAAAATTTGAAGAGAGGGCTTGAACTCTCTAATGAAGTCTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_571 U64922|Nicotiana tabacum geranylgeranylated protein NTGP1 mRNA, complete cds



AATCTCCATTTTGCCTCCCAATAGTGAGCGGCGTGTCGGGCGTTGGCATTGGCACATTGCGATTGCGTTACATT  
CCCATTTCTTTCCCACTCAAAAGAATCATAAGATCCCATTTTTTCACAAAAATTACGAATTTGTTTTGTTTTCT  
TACGATTTCTCAACCCTTTTACAGAGACAAATTAGAGGAAGGGAAAAAAGGGGAATTTGAGTTCTTTGAAGA  
AGAAGAAGGAGGAGAAGAAGAAGAAGATGAAGATCACGGCGTTGCTGGTCTTGAAATGTCACCCAGAAGGA  
TCGGATCCGATTATATTAGCCAACGCTTCCGATGTGAGTCATTTGCGTTACTTTGAGAGGTCCAGCGTTAAGGA  
GTTTCATCTGTTTTGTTGGTCGGACCGTCGCTAAGCGTACCCCTCCTGACCAGCGTCAATCTGTTGAGCACGAAG  
AGTATAAGGTGCATAGTTACAATAGAAATGGGCTTTGTGCCTTGGGATTTATGGATGACCACTACCCAGTTTCG  
AAGTGCATTTTCTCTACTTAACCAGGTTATAGATGAGTACCAAAAAAATTTGGTGAAACATGGAGAAGTGCA  
CAAGCGGATAACTCTCAACCATGGCCCTATCTGACTGAAGCTTTAACCAAATTCCAGGATCCTGCAGAGGCTG  
ATAAGCTGTTGAAAATACAGAGGGGAATTGGATGAAACCAAAATTATTCTTCATAAGACCATTGACAGCGTGCT  
TGCACGTGGCGAAAGGTTGGACAGTTTGGTCGAGAAGAGCTCTGATCTCAGTGCAGCATCACAGATGTTCTA  
CAAACAAGCTAAAAAGACCAACCAGTGTTGTACCATATTGTAAGCTTTTGATGGCATCACATAGAAGGTGAAC  
CAGAGAATTGATGATTGTAATATGATTATATCCTCTACAATTTGTTGTTTCGCTGAATCTTGTAATTTATCC  
TCGTTTGTTGTTTAAAAGATGGGTGTTGGGTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCC  
CCCGCCCCCAAAACTTTATCAAACCCCCCAACCCAGGGGGGGCCCCGGACCCCAATTCCCCCTAAAGGGA  
GCCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTACAACCCGGGACGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTTA  
ACCCCTTGAACCACACCCCCCTTTCCCAAGTTGGGAAAAAACCAAAAGCCCCCCCCCAATCCCCCTTCCCA  
AATTTGCCCCCCTGAAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGAACCGCCCCATTAACCCGGCGGGGGGGGGG

>trans\_c\_572 XM\_002320975|Populus trichocarpa multidrug resistance protein ABC transporter family, mRNA

CAAAGATTTGCAGGTTGATATCGGCCAAACACTCCTCTGGTCCTTAAGGGTCTCACGTTAAGTATTTATGGAG  
GAGAAAAGATTGGTGTAGTTGGTCGAACAGGAAGTGAAAATCGACTCTAGTCCAAGTGTTGTTGAGACTGG  
TTGAACCTTCAGCAGGAAAAATAATTATTGATGGAATCGACATTTCCACATTGGGGCTTCATGATCTAAGATCG  
CGGCTCGGGATTATTCCTCAGGAACCAAGTTCTTTTCGAGGGGACAGTGAGAAGCAATATCGACCCAATTGGCC  
AGTATTCTGATGATGAGATATGGAAGAGCTTGATCGATGCCAACTTAAGAGGTCGTGGCTTCAAAGCCTG  
AGAACTTGATTCTCCAGTTGTTGATAATGGAGAAACTGGAGTGTGGGACAGAGGCAGCTTCTCTGCCTAG  
GAAGGGTCATGCTAAAACGAAGTAAGCTTTTGTTCATGGATGAAGCAACTGCATCAGTCGACTCAAAAACGG  
ATGCATTGATTCAAAATATCATCCGAGAAGATTTTAGATCGTGACAATCATAAGTATAGCTCATAGAATTCCC  
ACAGTCATGGATTGTGACCGAGTTTTGGTCGTCGATGCAGGAAAAGCAAGAGAATTTGATAGGCCCTCTCAGT  
TGCTTCAAAGGCCAACACTTTTTGGAGCATTGGTTCAAGAGTATGCCAATCGATCCCTTGAACTTTAAATGCGC  
TGTTTTACGATTTGTTTGGCTTCTCAACGTCGTGCCTCGAGCGGCAACGCAACGGCGTAGTTAACCTTGGGCTC  
GGGTTTTGTTTTGATGAATTAATAATGTGGTAGAAAGCAAGGCCTTGCATCCTAGTATGGGTAAGGATGT  
AACAACCCCTCACATCAGCTGCATTGGTAACTGTTAGGATTCTCAATCTATCATCACTCTTGGGAGCATTGGC  
TCGGTTTTCTTAGAGCAAATTTAGTAAGTTTTGTAAGCCATAGCTTATTATTGGTTCCCAATCAATTAGTAGGAA  
AAGCTACACTCAACAGAAAAGGAAAAGAAAGAAATTTAATTATTTGCATTGATCTGTTGAAGAAGTCTCTTGA  
CCTTTTTCCCCCTTAGTATAACATCCAAGTTTCTGCTTTTGTAACTTGTGGTTGTTTTCTTATCTACTTTAATG  
TGGTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTTGAATTTTAGCCAAATTCTATATAAGAAGTCGTAAAGATTACTTTTT  
AGTTTCTAAATTTAGTTTAGTTTTAAATTTTTGTAAGATTGAAAACTAAGATCCATTTGATAACTATCTTATT  
TTTTAAACGAAGATTATAGATACAACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_573 AY108504|Zea mays PCO117880 mRNA sequence

ATATCTGCAGAGATTTTGTGGGATGGCGGGTGGCTTCTGCGGCAGTTGTTACCTTATAGTGAGGCAGAGTTCA  
ACAGTCATCATCTAAAATTGCTCAAAGATTCATATAAGTACTGGGCTACTGAGCTCTTACAGGAAGCTAGAGG  
GATTTGGTCTGATTTCTCATAATACTTCTATCCGATGAGTGGAAAAAGTGCAAAGAGCAATTGAAGCCCCA  
TCACCAAGCAAAGAACCGAAGTCCATGCTCTTGCACTCTGCAAAGGCTTCTGCCGTTGATGCTGTTCCACAAAT  
CATCATTTGCTGCTGGACAAAAAATGTCTGACTTGGTAAAGGTATTTGTTCTTCTACACCAACTTCAATCATTTT  
CCCTTGGAAGGCTTTGTCAGATCAACCCTGTATTGACCCTCCATCACAAATCCCGATTGCTCTCGTGCAAAG  
GTTGCTGGACTAGATGCTTCAGGACCTAAGCCAGGTGCTGAGTTGAGACTTGATGGTGCACTGCCTTGTAGA  
ATTGCCTTTGAGAGGGGTAAAGAGCGCCACTTTTTCTTCTTGGAACTGCTATTGGAAGTTGCGGATGGATAA  
TTCTTGCCGAAGAACTGCCATCAAACTGAATTGTGGAATTGTTGAGTTGCTGCACCTCTTGCTGGATCAAAT  
CCTAGAATTGATGAAAAACATTCAAGATGGCTGCACTTGAGGATTCGTCCATCAACTTTACCTTTCTAGATCC  
TACCAAACATGGTACCCCACTAAAGTCAAAGGCAAAACCTTTTGTGGATGGGAGATGGATCCTAGCATTCCAG  
GACGAGGATACTTGCAAAGTCGCACTTTCTATGGTTCTGGAGGAGATTAATCTGCAAAGCAAGGAGGTGAG  
AGAAGACTTAAACCATTGGTCGGTCTCGAAAGAGCGGTAGATTCTGCAGATGCATTTTTATGTTCTACCAAGT  
CATTAACTTCCAATACAGCTCCTAATCTAATGTGAGTATCATGTATTAATTCTTATCTAAGTTCTTTTTCCCCAA  
TAATAGATTTGCTTGATTACGGGTGATGTATTATTTATGTAACCACCCTTCTGTATATGATCATCCCTTACCTCA  
GAAATGCGAAGCAAAGAAAAGAGTAGTTTTAGCATCTGAGAGTTTGTATCAATCCTTGTATAGTATTTCTTAC  
ATTTGTTGATTTATCAACAAGTTTTACCCCTTCATTCTTTTGTGATCTAACCTCGGCTTGTGCTCTCTTCTTCAA  
TATGTAAGAAATAAACATTAGCTTATAATTGATTGAATCTTAAGCCTTCTATACACATTGAGTGAAGTCTTATAG  
ATTTCTTTTTCCCATTTTTCTTTAAATACAAGTGACGACATGGTTCTTCTAAACAA

>trans\_c\_574 AF139500|Prunus armeniaca p69RF mRNA, partial cds

AGGAAGTTGTACGAACAATGCTCACCTCTGCAACTCAAACCTCTCTCTCCTTCAAACCTACATTCCCCTCCA  
AAAACACTATCACAACCTCAAACAACAAATTTCTACACCCTAAAAATGGCCGCTGATTTGATCGAGCCACTGAA  
TTGAAGCAATTTGACCAAACCAAAGCCGGCGTCAAAGGCCTTCTCGACGCCGGCATCAATCAAATCCCTCGCA  
TTTTCATCCACCCACCTGAAACTCTCTCCGACCTCAAACCAACCTCTAAATCACCATCTTCTCTCCCCCGTCCT  
CGTCCCCACCATAGACCTGGCCGCCCTCCACTCCCCGACAACCGTCTCTCCATCGTCGATCACATCCGAGACG  
CCGCCTCCACCTTCGGATTCTTCAAATCATCAACCATGGAGTTCCGCAAAAAGTGCTCGACGATATTCTCGAT  
TCCATTAGGGCTTTTACGAACTGCCAGCGGAGGCAAAATCGTCTACTACCGGAGGGACGTTGAGACCGGA  
GTGTCGTAATTGTGGAACATCGATCTGTTTAAGGCAAAAGCGGCCAGTTGGAGAGATACGCTTCAGATAGGA  
CTAGGACCGATGGCTGCAGCGTCGGAGAATATTCCGGCGATTTGCAGGAAGGCGGTGGCGGAGTGGGCGAA  
GGAAACGGAAAGGTTGGGGTATTTATTAGAGGAATTGCTGTGTGAGGGATTAGGGCTGAGATCAGAGCGGC  
TTAAGGAGGCGACGTACGGAGAAGGGCGGATGATGGTGGGGCATTACTATCCGTAAGTCCACAGCCGGAT  
CTGACGGTGGGGATAAAATCGCACACAGATCCTGGAGTTTTGACCGTTCTGCTGCAGGATCATATCGGCGGTT  
TGCAGATAAGGCACGGCGGTGGTTGGGTGGATGTTGAGCCCGTCCCCGGTGCTCTTGTATCAATATCGGTG  
ACTTGCTTCAGATCGCGTCAAATGATGTGTACAAAAGTGTGGAGCACAGAGTATTGGCAAATGGAAAGCCAG  
AAGCACGTGTTTCCGTTGCGGTTTTTTACAATCCTAGAATCAGAGATAACTTATATGGACCATTTCCAGAACTA  
ATCTCACAAGATACACCAGCTGTATATCAACAATTTACATATGCTGATTACATAACAAGATTTTCAACAAGGA  
GTTAGATGGGAAATCATTGCCCAACCATTACAGAGTATGAACTTCATGTTTGTGCTATTTTTTACTTTCAAACCT  
TGAAAAATGTTTGTATCTTTTAGGGACTTCCTTCTTTAAAAATAATATATTATAAGGATGAAAATATTCTATAAAA  
ATATTTAAGTTTCAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_575 NM\_001048540|Oryza sativa Japonica Group Os01g0144600 (Os01g0144600)  
mRNA, complete cds

AAACGGAAAAGAGAAAGAAACGGAAGCCCTAGCCTCCATTTCTTTCTCTCCACTTGCAGCCACCACCCCTCTCT  
ATGTTTACGCTTCTCTCCGGTGACACTCCAGCGCCCATAGGTCTAAGGCGGCGAAGACTGAACCAGATTTGT  
AGTCAACCATTACTCGCGAATCTGGCTTGCAATTTGTGAGCAGACTCCGGGCTTTTGAAGCATTGTTTCTCCCT  
TTGAGACTCCAACGTGAACAAGTTGTGCATTACGTTTTCGACGACTGGGTGTCTTGCAGCAGGTTTTTTGATTT  
GGGAGTAAGCTTTCAACTGCTATCCTCACTTCGCTTGGCTTCAAATCAGTTTACCATATCATTTACGGCCCATTT  
TTGCAAGTTCGGACGTTTTTCAACACCAATCGGCAAGGATTGGAGCGTTTTTTTATAACATTTCGGCACAATTA  
CAGAAAGTGTTCAGGTTGTGTGCACTTGCAAAAAGTAAAACCGAAAGAGACAGGAAATAGATTAGAAAGT  
GAAGTTCGTTGTTTGAAGCTTCTTTTGGCCAAACCATAATGGCAAAGCGCGAGATTTCCAGTACATTAAGAAAC  
TTGAAGTTCATGCAAAGGGCGACTCAGAGAGAGGAGCAACCTAAGAAAGAGGAAGAAGTAAAAAACCTGA  
TGAGAAATTTCTTCCCTCGGGTACTAAAATCAGAAAGTGTGTGGTTTTAGTTGAAGGAGATCCTCATCCAGGG  
GCTCTTAAAGGTGAATGTCATTCCAGAGCTTTAATCCTTCAATTGATAAACTCAATGAAGAAGCAGCTAGGTT  
AGGGCAGCATGAAATTCATGCACTTCTCAGGGAATCATAGTGGAACCTTTTATCAAGAGATGATGGATCT  
TCAAGTAATGAAGCAGTGTGCTCAAACATTGATGAAAATAATTGTGAGGCTACCGAGGACCTTAAAGGAAA  
CAATCTGAAGTAGTTCATGAAGGACAACATCCAATAAGTTTTCTAGAAGTGGAATGGTAAGGATCCTTCA  
AGAAACCAAAGGGTGGAAGCTGGACTGGAATGTTCTTAGGCCCTTAAGGCTCCCAATAAAAGTGGGTAAT  
CTTGTGTAGGAAAGTCATTAGATGGGTGAATCCAGTTTCTATGCTCTTAGGAGATTGTATTGATTTCTTGCCAG  
TGTTTGTAGCTATATGGGACCTTTAGAGTTCCATGATCAATTAATGGGAAGTGTGATGTCATTTAACGTCTCT  
TACCACCTCATTGAGATTCTTAATTCATACATACCTGTACTCTGATCAAGAATGAATCTCAATACATGGAATAT  
TGTCTGATTTTGTAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_576 XM\_002872848|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

TGGAAGAATTGTTGATGTTGATGCAGTTAGGTGAGGATTAACTGAATTCATGGTCTCCAAAATCAAGGGATT  
GAGTTCTATAGATCCAGAGTTGGTTCCCCGAGCTACAAAGGCTTTCAGAAGTGGAAGTTTTAGCAAAGCAATT  
CAAGATATCACAGGATTTTATGTGATTCTGGAGGGATTTTTCATGGTTGAAAATGTGAGAAAAGCTATCAAGA  
TAGATGAGCCGGTGCCTGATAGTCTTACCACTTCTATGGTGACGACGTGTTCTATGTCCTACAGAGTTGCTTA  
AGACGTGCAATTTCACTTCGAATATCAGCTCATTGATTGCAGTTCTGAGTGGTGCTAGTAGTCTATTGAGCAA  
TGAGTACCAAGAGGCATTACAACAAAAATGCGGAGAACCAACTTAGGCGCAAACTATTTTATAGGGGGTGT  
TGGTGTACAAAAGACAGGGACAGAGATTGCAACAGCCTTGAATAACATGGACGTGAGTAGTGAATATGTTTT  
GAAACTCAACATGAGATTGAGGAGCAATGTGCGGAGGTATTTCTGCGCCTGCAGAAAGAGAAAAAGTGA  
AATCTTGTTTATCTGAATTGGGTGACATGAGCAACACTTTCAAGCAAGCTTTGAATGCTGGCCTGGAACAATTA  
GTTGGAACCATAGCACCACGATTGCGCCAGTTTTAGATACCGTTGCAACAATTAGCTATGAATTGTCCGAGG  
CTGAGTATGCCGATAACGAAGTGAATGACCCATGGGTCCAAAGACTTCTCCATGCAGTGGAAACAAATGTGG  
CATGGCTTCAGCCTCTAATGACTGCCAACAATTACGACTCGTTCGTGCATTTGGTCATCGACTTTATTGTCAAAA  
GGCTTGAAGTGATTATGGTGCATAAAAGGTTTAATCAGCTTGGACGGCTTCACTTGACAGAGATGCAAGAG  
CATTGGGAAGCCACTTTTCCAGCATGACTCAAAAAACGGTTCGAGATAAGTTTGCTCGTCTCACTCAAATGGCC  
ACGATTCTCACTTAGAGAAGGTTTTCAGAGATTCTAGACTTCTGGGGAGAGAACTCAGGACCTATGACATGGA  
GACTTACTCCAGCAGAGGTTAGGCGTGTATTGGGTCTCCGAGTTGGTTTTAAACCTGAAGCTATAGCTGCTCTT  
AAATTGTAAGCCTATTTTTCAATACTCACAATATTACCTTATATTCTTTGGTTATTTACGTTAAGAAATAGCTCT  
CTTGGTTTTTTCTTTTTCTTTTTCAACTTTTTGTTACTTGAAATTTTAATCACAGATTCTTAAGGCAATAAGATGT  
GCTTTGGACGTTTAATGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_577 NM\_130185|Arabidopsis thaliana ABIL1 (Abi-1-like 1) (ABIL1) mRNA, complete cds

GCTTCTCTCTCACTCACTCACTAACTCACTTTGCTTTCTTTCTCACCGAATCCAAATTTCCACTCTCTGTTATGAAA  
CTTCCTTTCTTTCTTTGCTTTGATTTGATTTCACTTATTCTCTCTAGTTCCTTGATTTCTCTCAAGAAAATGGAGT  
TGGATCATCAACTCAGACCGGACAATCCCGCCGCCATGACTTTCGACGAGGCTTCCATGGAGCGCAGCAAGA  
GCTTTGTTAAAGCCTTGCAGGAATTGAAAAATTTGAGGCCTCAGCTGTACTCTGCTGCTGAGTATTGTGAGAA  
AACCTACCTTCACAGTGAGCAGAAGCAAATGGTGGTGGACAACCTAAAGGACTATGCTGTTGAGCTCTTGTG  
AATGCTGTTGATCACCTTGGTACAGTGGCATAACAAGTTGACTGAGCTTCTTGAGCAGCAAACATCAGATGTAT  
CAACCATGGAACCTAAAGTTTCCTGTCTAAATCAGCAACTTCTTACATGTCAAACATATACGGATAAAGAAGGC  
CTCAGGCAGCAGCAGCTACTGGCATTGATCCCAAGGCATCATAAGCACTATATTTTACCGAATTCTGTCAGTAA  
GAAGGTACATTTTAGTCCACACATACAACTGATGCTAGGCAGCAACCCTTTCAAGCAAGAGGTCGTCTTCAG  
CCCTCAGGCATTGCTGCATCTAAGACACTTTCATGGCATTAGCCTCAGAGACAAAGTCAACACTGAAAGGTG  
GTTACATTCTTTAAACAGCAACGAGGATCAAAAAATTGCAGAAAAAACTTCTGGAACCTTCCATCTTATAGAT  
AATGATGCCGCTATCCGTCCGAGATATTCTGCTGGTCACAGTCAGCCATCAAATGGATTTCCTGCTTCCAGTGC  
AATTTTGCAATCCCTAGGTGGTGCACACAGGGAGGCATTGAGGGTTCCAAACATTTGACAGCATTGATGTCG  
TTTGATGCCCCCAGTCGACATGAAAGAGTACACGTCCCGACTCGCAGCAAAAGTGTGCTATCTGCTTTCTTCGT  
AAAACAGAAAACACCAAACTGAAGGCAGGCTCCGTCTCGTAAATTCTTCAACAAAAAATGACCAGCAATAAC  
CTCAACTGTCATGGCGCAAATTCTACATGTATTGTATCTTCTCCACTCTCCATTTTATTCTCTTTTATGTGCAA  
TAAATAATGAAAATCGGTACATAAAAGCAATAAGGGATTAGGGAAGATGGTAGACAACAGGTGTCTATACG  
TCGATTCTTGCTCAATATGATGATTGATAGGTTAATTTCTCTGGACGGTTCATTTTCTGTACTGTTACTTGTGCC  
TAATTGATTGCTTACATTCCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_578 NM\_180385|Arabidopsis thaliana OTU-like cysteine protease family protein  
(AT3G57810) mRNA, complete cds

AATTGTTGTAATTGAATTCCGATTTGGGGGAAAAAAGTGTGGTTCTGGACAGTGCCCAAATGCTCTTGTTTC  
ATCTTTGAATTTTAAGCAGCTCCTCGATGAAGCTACCAAGCGAAAACAATGGCAAATTCAGAAGCAACTTCTTC  
AATACAAATCCAAGAAGACAATATGGACATTGCCCTTTTCTACTCTCCAAGCAATTCGCTACTTAAAACCCTA  
AATCCCAACGTGGGTCTGTCGTCTGTGTGTTCTTGCCTCAAATTAATCTCAAAGTTATCCTTTCAGGCTGCACC  
ACCATGAGTATTGGTTCAATCAGTATTTGTACAAGGAATGCTGTCCCTCTGAACCTTGCGCATTTACACACAGAT  
GGGCAGCAACATCTGTACAGTGCTATCCAGGAGAACATCAACTTCATGCTGTTCTATGGAATTTCAAGACCA  
AAGTATGCCGATCAATCCGTCACCACAATATCATCTTGTTACCAAATACTAGCCAAAGATTTAGGGGAGGCTG  
TCTCAGTACTTGCTTCTCAGACGGTCAATTGACTTTCAAGCTTTTACAGTTAAAGATTTGATCACCGATAGAG  
GATCACCTGGTAGAGAAGTTGAAATTTCACTGGCATGTAAAGGTATGAATGTGAAGCTCTCAATCCCCAATGA  
TGGGACATTTAGCAAAATCAAATATAACATGCGATGGCCAGAAAGATGGGCATCTGCTGGCTTAGTTTTTGGG  
TGGGTGGTTTGTATTCAACTTCTGAACCAGTCCATGCTGAAGCAGCTTATGAAAAAGATGATAATGAAGAAA  
ACTCTGATTCATCTCATGTCAAACCTCTCATGGAAAAAAGGTTTACACCGACTACTCGGTTATCGGAATTCCT  
GGAGATGGAAGATGTTTGTTCGGTCAGTCGCTCATGGTGCTTGTGAGATCTGGGAAACCAGCTCCAAGTG  
AGAGCCTTCAGAGAGATTTAGCAGACGAATTGCGGTCCAATGTTGCAGATGAGTTCATCAAGAGACGTGAGG  
AAACAGAAATGGTTTGTGAAGGCGATTTGATACGTACGTGTCAAATATGCGAAAACACACGTGTGGGGAG  
GGGAGCCGGAGTTGTTTCATGGCTTCACATGTTCTTCAGGCACCTATCATAGTGTACATGTACGATAAAGATTCT  
GATGGGTTGATTTCCATTGCTGAATATGGCGATGAATATGGCAAAGAAAATCCAATCAGAGTTCTGTACCATG  
GTTTTGGCCATTACGATGCTTTGCAAATTCCTGCTAATCAAGGAGTAGGTAGATCTAAACTTTAGTCTTCTAAA  
TTAATTATTTCTCAATCAAATTACATTCTTTTTATTCTATTTAATAAATTTCTCTCATTCC

>trans\_c\_579 XM\_002298167|Populus trichocarpa amidase family protein (AMI5), mRNA

TAGAAAATTTATCTGGTTATCAGTCTCCAAAACACATGAACTTTGGCCAGTACCTGGCTTCTAATGTCCCCAGT  
CTGAAAGGGTTCCTTGATCAATCACCAAAATTGCAAAAAGGAATTACTATTTTAAAAGCTCTCTTTCTGTTAT  
GATTTTATTACAGAGATGTGAATTTAAAATAAATCACGAAGAATGGATTAAGTCAGTCAAACCAAGTTAGGA  
TCTAATGCATCTGAAGATGTTCTTGCAGCAATTAACATCTTATGATGATATAAAAACTCTATACAAAGTCAG  
AATGGAGACGAGAATTGCACTTAAAAGTTTATTAAGGGTGATGGGATATTAGTAATTCCTACAGTTGCGGAC  
CCCCACCAAAGTTTAGTACAAAGAAGGGAATTGCTTCTGAGTTTCGTGATAGGACATTTGCATTATCAAGCAT  
TTCAAGCATGTCTGGTTGCTGTGAAGTTGCTGTTCCGCTGGGAAAGCGGGACGACTGCCCCATCTCAGTTTCA  
CTCATAACATTTTATGTTGCGGATAAGTTTCTTCTGGACACTGTCTGGATATTTTCTCAGCTCTTCAAGAGCAA  
GTTGGCATTGCTTCTAACAATCTATTGCCATTTGCTGATACCAATGGGGACATGGATGCCTCTGAACTATTGAA  
AGAAAAGGGCAACGCAGCTTTTAAAGGAAGGCAGTGGAATAAAGCTGTTAGTTACTACGCAGATGCTATTAA  
ATTAATGGGACAAATGCAACTTATTATTGCAACCGAGCTACCGCTTACTTAGAGTTAGGCTGCTTCAACAAG  
CTGAAGATGACTGCAGCAAAGCCATATTACTTGATAAGAAGAATGTGAAGGCATATCTCAGACGGGGAAGTG  
CCAGAGAGTCTCTTCTCTATAAAGAAGCCATCAAAGATTTCAAGCATGCTCTTGTCTCGAACCGCAGAAT  
AAAGTTGCAAATCTTGCTGAAAAGCGATTACAAAACTGATCAGTTGAGGATGCAACTCTTGATGGAAAACG  
AAAAATAAAACCAATGATACGACTCCAAGATAAGAAGAAAATATAAAAAATAAAAGAACAAAGCCAAGG  
TGATAGAGGCATTGTAATTGTGATTTGTGGAATGAAAGTAAAGGGTAGAGTTGGAAACGAGTCAGAGCCTAG  
CGGCTGCTCTGCCAATTTTGTGGTATATATGAACTGTAATCAGCCTTATTTTGGCACAAGACCTTGTGGAAT  
TCTTAACCTTTTGACCGTCTGGAATTCCAATTGGGATTCTAGGTGCTTCTTTAGCGTTGTGAAATATTTTCTTTTC  
ATCTTTTCTNACAAGTTTATTGTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_580 EU325896|Poncirus trifoliata F-box protein mRNA, complete cds

ATTTGCGGTGAGTTATTGGGGGTCGGTCGTCATTCTAAAGGCCGGACCTGCCGGCTTCCAGCTCCGGTCACCG  
GCCGACGGACATTATATATCGAAGTTTTTATAATCGATCCTTTCAGGACTTCGAAAATCCCATCGCTTGATGTG  
AGATGGCCATTCCAGATGAAGACGACGAGTTCTTGGCTCAATTTCTCGAATCAGAGGTTCTCTCGGAGGTCTC  
CGACAAGGAGGAGGGGAACGTGCAGGAGGAACCAAAGCCTAAGAGAGCTCGAATCGAACAGATTAGCCCTA  
ACGAACAAAGAGAGGTAGTTTCTGTTACTAGTTCCTCCTCTCAATCCAAGGGCGTTGTTCTGGGAGGATTGA  
GAGTGGAATTTTCAGTAAAATTCCTCCGGAGCTCTTCCGCCATATCCTCAAGTTTCTCTCATCAGAGGATCTCAT  
TTCTTGTTCAATTGTTTGTGATTTTAAATTCTGCGGCGTCTGATGAATCATTGTGGCGCAGATTATATTGTCT  
GCGTTGGGGTATGTTGCCACGTCCAAGAAGTTGCGCCAATGTCCTTGGAACAACTTTATATTACGCGTGAC  
GAAGAAGATATGACTCAACTGGTTCGAGATTGTTCTTCTGAATTTAAAGAGTACTACATCCAAATGCAAGCTG  
CAAAGAGAAGTCAAGCTCCTCTTCTTCTCAGGTGCAGGATGACCAAATAATTCTTGATAGGACCATGGCTGA  
TCAAGTATCTACATGGAAGAGCAGCAGGGGATTGACTGACAAGATAGTCCTAGATCACACTTGTCTGGAGA  
AACGTGTACATATTACCAAATTGGAGATGCATTTGTATGTGAAAAGACTGGACTTGTTTCATGTATGTGACGAC  
ACTTGACAGAGAAGTCATTATGGATCCCAATGATGAACAACCTGTCTGCACAATATCTGGACACTGCTTTGATTC  
TCTACTTTTGCCAGACGCTATGGAACCAAGATACTGAACAGCAACAAGCCGGTGGAACCGATGAGGCGGAACC  
ATTCATGGGTTTCAGGCCGTTTTGCTCGAGCTTACTTGTGGGGTACAATTGTGCTGACGAAGCGGAGCTAGAA  
GCTACTTTGAGGTTTTGTTGATTTGGAAGTCAACGAGTTGTGGTATGATTCAACATCTTCACTGCCTCACCTG  
TGTGTGTTGGCTTATATTAGTCAATTTCAATTCGTGTAGAAGTTGTAACTAGGTAATATATAATTATATATG  
TTATATATATTTTATTTAACCAGTTTCTTACATTCTACTGCGGGTATGCCTCTCTCACTCTCTCACTCTCTCTC  
TTTCTAGTTCAGTAGGGCGTTGTAATATCTATCAGTTTCAAATATATTTTGAATTTT

>trans\_c\_581 AY108950|Zea mays PCO069505 mRNA sequence

CAACTGAAAAAAGTAGAGCCCAACCAATTTAAAACCTCAACAACCTCTCTACTCATACTTCTAATTTTCTTCACT  
TCCTGATATTCCAACTCAACTCAAACCCAAAATGGAACGCTATGAGATACTCAAGGATATTGGGTCTGGGAA

TTTTGGTGTTGCTAACTTGTGAGAGATAAATGGAGTGGAGAGCTTTATGCTGTCAAGTATATTGAGAGGGG  
CCAAAAGATCGATGAGCATGTCCAGAGGGAGATAACGAATCACAGGTCTTTGAAGCATCCCAATATCATAAG  
ATTTAAAGAGGTTCTACTCACTCCACGCATCTGGCCATTGTGCATGGAATATGCAGCTGGGGGAGAACTTTTTG  
AGAGAATATGCAACGCCGGAAGATTCAGTGAAGATGAGGCAAGATATTTTTTTCAGCAACTGATTCAGGAG  
TCAGCTACTGCCATTCAATACAAATTTGCCACAGGGATCTTAAGCTAGAGAACACACTTCTAGATGGAAGCTC  
AGCCCCACGGCTCAAAATTTGCGACTTTGGCTATTCCAAGTCATCAGTGTTGCATTCCCAACCAAAATCTACCG  
TTGGAACCCCAGCCTACATTGCACCAGAAGTTTTGTCTAGAAGAGAATACGATGGGAAGATTGCAGATGTTTG  
GTCTTGTTGGGGTCACTTTATATGTGATGCTGGTTGGAGCGTATCCTTTTGAAGATCCTGAAGATCCCAAAAAT  
TCAGAAAGACGCTCCAGAGGATTCTTAATGTCCATTACTCAATACCACACTATGTAAGAATTTTCATTGGAATGC  
AAGCACCTTCTATCTGAATATTTGTAGCAGATCCAGAGACGAGAATAACAATCCAGAAATCAAGAAGCACC  
CATGGTTCTTGAAGAACTTGCCAGTAGAGTTCACAGATGAAGGGTGGGAAGGGATACAGAGTAATGGAGAA  
AATGAGGCAACCCAGAGTATTGAAGAGATCCTGTCCATAATTCACGAGGCTAGAAAGCCTGGGGAGGGGGCTC  
ATAGTTGGAGGGCAAGGGCAATTTGTTGGGGGCAGCTTGGACATGGATGACTTGGACACAGATCTTGATATC  
GATGATTTGGAGACAAGTGGTGACTTTGTTTGTGCCTTGGAGTGCTAGTCATTGTCAGGAAGGCCGGGCCAA  
CTTTTTGGCCAAACAAAATAAAAATAGAATTAATGGTTGGGTGGGAATCAAATCTCTTATTTAGTGGGAT  
GATGGTGTGTACGTATTGCTGTTCTGTTGGGAGGTTTCTATCTGTCTCTTTGAGATTGTCAGAGTCCATTAGAAAC  
ACTGTAAATTTTTATAGCAGCTTTAATAATGCCGTTGTTAACCTCTCCTTTATTCATCTTTATGCGTAT

>trans\_c\_582 XM\_002890636|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ANAC008, mRNA

AAAAGTAGAAAGACAGACCCTTTTCAGTTTTTCATCATTACTGTTTTGTTGTTACGAGACGCGTCCAACAGTAAC  
TGGGTCTCAAAATTTTCCAAAATCGAACACCGTTTCTTCAAAATCTCTACGCGGTATAGAATCAAAGTAGAT  
GACGCAGCTGCGATTGTAGACATAACATTTGTAATTGTGGATCTCGATCTCCCCATTCGCTGTTTTCCATGGCT  
AGACCTTCATGGCTGGTAGACAGCAATAGAATTGCAACAAAAATTAAGAGTGCATCTGGAACAAGCAATCCTC  
GAAGCGTGGAAATGGAAAAGCAACCCGAGCAAAAGTTGTCCGAATTGCCACCATAACAATCGATAACAGTGATG  
TTGTTCAAGAGTGGCCAGGATTACCTAGAGGTGTAAAATTTGATCCTTCCGACCAAGAAATTATATGGCATCT  
GCTAGCCAAAGTTGGTATTGGTGGTTCAAGGCCACATCCTTTCATTGATGAGTTTATACCAACTGTCTTTGAAG  
ATGACGACATATGTTATACCATCCTCAAAAATTACCAGGTGTTAAACAAGATGGCAGTGTATCCCCTCTCTT  
CATAGAGCAATCAAGGCATACAATACTGGGACTCGAAAGCGTAGGAAGATAACAGACGATGATTTTGGTGAT  
GTTGCTGTCATAAGACTGGAAGGACAAAACCAGTGGTCATCGATGGCGTTCAAAAGGGTGCAAGAAGATTA  
TGGTTCTATACATGAGCTTTGCCAAAGGGGGTAGAGCTGAGAAAACCAATTGGGTTATGCACCAATATCACTT  
TAGGGACAGAGAAGATGAGAGGGATGGCGAATATGTCATTTCCAAAATATTTTCATCAGCAACAAAATGTTAA  
GCAGGGTGAAGTCACTGAACAGGAAGCTCCTGAAATCATTGATACCATAAAAAGTCGATCCCCATACTCCAAAT  
TCTGCGACTCCTGAGCCTCCTCGTATTGAAAGTAGATGTGTGGATGTTGATCCGGAACAAGATTCTATAATCAC  
TTCCACAAGTGTGCTTGTTGAGGTATATGAAAACGGCATCTCATTCTCATGTTCCACAAATCCAGACTCACAAA  
CCATGCTTGATATTATATGAATCGAACTAATTTGGATTTGTATGGCCTCTGTTTTTCATTGTGTGCAAGTTTT  
GGATCTGAAATGCTGGGAATAGTTAATTTTACTAAAGCCTGGCATCCATCGAAAAAGAATGTCACCTCTTGTTT  
CACTCTTTATGCAATATGCATATTTGTTCTTTAACGAGCCTGCTTATTATCAATTAGGTTCCACCAGAATTTG  
AAGAGTCAGAAAAACACAATATTATCAAGCCAGATGGTTACTCCAATGAAGTGATTGACG

>trans\_c\_583 AY902466|Gossypium hirsutum 3-ketoacyl-CoA reductase 1 mRNA, complete cds

AGTTCTCAAACTCAACTAAAAGCTGAAACGCAAAACCCCGAATGAAAGTGTTGAGATTTTTAATTAGCCGGT  
TTGCTCATCTACTTCAGCAACCCATCATCCGTTTCCATAAATGTAACCCATACTCCATTTCTTCTTCTTCTTCC  
TAATCTTCTTTCCATCTCCTCACAAATCTTCTTTTAAATCCCACATTTCTACTCCCAAAATCCCCCAATCCAAATA  
TGCAGCTCGGTTGTATCGAACAACCTAAATCTCAACCCATCTGGGTTTTATTTCTTTTAGCATTGGGATCTCTCT

CAGCTCTCAAATTCATACTAATCATTCTCAAATGGATCTATGTTAATTTCTCCGACCCTCAAAGAATCTCAAGA  
AATACGGTTCATGGGCACTCGTCACTGGACCCACTGATGGTATCGGTAAGAGTTTCGCTTTTCAGTTGGCTCGT  
AAAGGGCTCAATCTCGTTTTGGTGGGTCGGAACCTGAGAACTCAAAGATGTTTCTGATTCTATTGTTGCTAA  
GTACGGTAGCATCCAGATTAAGAGCGTTGTCGTTGATTTCTCCGGTGATCTTTCAGAAGGTATTAAGAGAATC  
ACTGAAGCGATTGAAGGTTTGATGTTGGGGTTTTGATTAATAACGTTGGGGTTTCATATCCGTATGGAAGGT  
TTTTTCATGAAGTGGATGAGGAGCTTCTGAATACTTAATTAAGGTCAATGTTGAAGGCACCACTAAGGTGAC  
TCATGCTGTTTTGCCTGGAATGTTGAAGAGGAAGAGAGGTGCCATTGTTAATATTGGTTCTGGTGCTGCTATT  
GTTATTCCTTCAGATCCCCTGTATACTGTTTATGCTGCTACCAAAGCGTACATCGATCAATTCTCGAGATGCTTG  
TATGTGGAGTACAAGAAGAGTGGAATTGATGTGCAATGTCAGGTTCCGCTATATGTTGCTACCAAAATGGCGT  
CAATTCGAAGATCATCCTTCTTCGTTCCCTCAACCAATGGATATGCAGCAGCAGCTCTACGCTGGATAGGTTAC  
GAGCCGCGCTGCACACCGTATTGGCCCCATCACTTTTATGGGGTTTGGTGTCTTGTGCCGGAGTCTGTTGT  
CGATGGTTGGCGCCTGAACTTTTGTCTTGGCATCAGAAAGAGAGGACAACCTGAAAGATTCCAGGAAAAAAGA  
GTAGGAAGATTAAAGATACGTAGTTCTAATTTGCAGAGAAGAATAACATTTCTCCTTAGTGTCAGCTACTTTTC  
GAAATTTGGAACACAAGCGTCTAGATCTGTATGTTTTAGTTTGATTGTTCTTTGACCAATATATATTTTTTTCC  
ATTTTATATCAGCCTTTTTTTCACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_584 NM\_102394|Arabidopsis thaliana BSD domain-containing protein (AT1G26300)  
mRNA, complete cds

GTAACCATAGTCGACAGAACAGAACGAAACGAAAACAGAAACCGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAA  
GAAGAAGTCAATGGAGGATTTATGGAAGAGAGCAAAATCCTTCGCAGAAGAAGCGGCTAAGAAATCCCAAA  
CCTTAACCTCCACCTCCACACTCTCCGAATTGGTCTCCGAAACTGCCAAAAATCCAAGGAGCTCGCCGCTGAG  
GCCTCCAAGACTGCCGATCTCATCAAACCGCCGCCATCAAGCAAGCCGATCAACTCAAATCACTCAATGTCTC  
CGACATTATCCCTCCTCAACTCTCTCCATTTCCATTCTAATTTCTCTGTTCTTCTCATCCTTCTCAGTCTGAGC  
TTGAAAAGTTTGGCCTCAACAACGATCTGAGAGATTTTGTAGAGGATTTACTCCCACTACTTTCCAGAACTTT  
CCGATCCAAGACGAACCGGATGCGTCGGACGTTGCGGTTACGTCCTCGAATGTGCGTAAGGATCTGACGGAA  
TGGCAAGAAAAGCACGCCACGTTGGTTCTACCAATGTCAAGGAAATTTCAAGATTAAGATATGAACTATGTC  
CAAGAATTATGAAAGAAAGGATATTCTGGAGGATATATTTTACACTTGTGAGCAGTCATGTTGCTCCATACGA  
GAAAAAATACATGGAAGAGATTAAGCTGAAGTCTGAAGAACAAGAAAAGCCGATGAAGCCAAGCAAACCTC  
CGTTGGTTGGAGCCTCTGAAAAAGCTGAAGGGCCGGAAGAAAGAACCCGAAGGGTATAGCTTCCAAATCGTCGT  
CTGCTGAACAAGACTTGGATACTTTTCTTTTGGGAGATCTCGAGGACAGTGACGCTGAACGTGCAGATGATG  
GCAACGAAAGCTTCGATGATGACTTCGACAAGATCGAAAACCTCGGATGTGATGAAGACAATTCCAAGGTAA  
AAGCCACAAGCAGTTAGAATGTGAAGTACAAGAAGAAGAAGATGGGGTTTTTAATAGGATCGTGGCCTTGGC  
TTATAGACAAAAAGAATGGGCTGTTGAGAAGAAAGTGAAGGTGAATACTAATACCATATCGAAGTACGGCAG  
TGCAGGCTTTTTATAACCAAAAAATACCAAAAAATAAGAGTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGATTGTTGTTTGTA  
GAGAAATATCCGTAAGTTTTTGCACCTTATCGATTCTATTCAATTGTATAAACACGCTGCCATTGATAAACAA  
CTGACTCTCTATATAGTGTATTGGGATGGCTGGTTTTCCCTTGCTCGAACTTGTACAGAATTTACACAATTACT  
TTGTCAAATTCGATTGTGTTTTACATTTTAAAGATGGAATTTCTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_585 XM\_002894387|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DJ-1 family protein, mRNA

TCACTCCTCAACTCCATTCTCACAGACACCGCTTCTTCTCCATCCGTGCTTCCATGGCGTCTCCTCCTGCTCGAA  
GGTTTTGGTTCCGGTTGCGAACGGCACCGAGCCGCTTGAGGCTGTCATCACCATTGACGTGCTTCGACGTGCT  
GGAGCTGATGTTACCGTTGCTTCCGTGGAGAATCATATTCGTGTTGATGCTGCTCATCAGATCAAGATTGTTGC  
GGATTCCCTCATTTTCAGATTGTGCAGATACTGTTTTCGATCTCATCGCACTTCTGGAGGTATGCCGGGTGCTA  
CCAGTCTAAGAGATTGTGCAGTTTTGGAGAACATAGTGAAGAAGCAAGCTGCTGATGGTCGACTTTATGCTGC

CATTTGTGCTTCACCTGCAGTGGTGCTTGGATCATGGGGTTTGCTGAAGGGGTTGAAAGCAACATGCTACCCA  
TCGTTTATGGAGCAACTGGGATCTACTGCAACTGCTGTTGAATCCCGGTACAGATTGATGGCCAAGTTGTGA  
CAAGTCGTGGGCCTGGTACTACCTTGGAGTTTGCTGTTGCACTTGTGAGCAATTGTATGGGAAAGAAAAAGC  
CGATGAAGTTTCTGGACCTCTGTTGTTGCGTTCCAACCATGGTCATGAATATACCATAGCTGAGCAAAATCAAG  
TGAAGTGGACATTTGATGATGGCCCAAGGATTCTTGACCTATTGCTAATGGTACTCAGAAAATGGAGGCTGT  
TATGATCATTGACATTCTTCGGAGAGCTAAAGGGAAAGTGATGGTGGCTTCTGTTGAGGACACGCTAGAGATT  
CTTGATCACGAAAAAGTTAAACTGGAGGCAGATTTACTTCTTGACGGAGCTGCTGAACAGTCATACGATCTAA  
TTGTTTTGCCTGGAGGGCTTGGTGGCGCAGAAGCGTTAGCAAAATCTGAAAACTGATTAATTTGCTAAAAAA  
GCAGAGAGAATCAAACAGACCCTATGGAGCAATATGTGCATCCCCTGCTTTGGTCTTAGAACCTCACGGCTTG  
CTGAAGGATAAGAAAGCTACTGCTTTTCTGCATTATGTGACAAATTGTCCGACAAAAGCGAGATTGATAACA  
GAGTGGTGGTTGACGGAAACCTGATTACAAGCCGGGGACCAGGAACAACGATGGAGTTTCTCTGGCAATCG  
TAGAGAAGCTTTTTGGAAGAGACACGGCAGTTCAGCTGGGAAAAACAATGGTCTTCATTGAGGATTAGAGGT  
CAATCCAGCGTTTTTCTACTGTGAGTGTTCATTTTCTTAACCATGGATGAGTCGAATAACTTTTGTATAA  
CTTGAGAGTTGGATTCTCATTTTGATCTGTGAATCCACTTCTAAATTTTGTATATATGTTT

>trans\_c\_586 BT010414|Arabidopsis thaliana At1g64980 mRNA, complete cds

ATCGCAAGGAGCGTACCCGCTCATTCCCCTCACTCTCTTATCACCGTATTCTTCTCTCTCGCACACAATTTAAAA  
CGCTCCCTCCCTAAATTTCTGGGCCAAGATTTCCCTCTCGCATCTACAAATAACAAAACTTTCGACGAATCCAT  
TCGACTGTTTTCTCCTCCTCATCATTTACATTTGCCTCCTTCTTGCAATTGAAGATTTAGTGCCCACCAAAGCCTC  
TGATTCCAATGGGTTCTTCCAATGGAGAGAATCATCTGCTGTTGGAGATGAGCAACATTTAGGATCTTTGT  
GGGCTATGATGTTCTGTAAGATCTTGCCTTGAGGTCTGTGCGCATTCCATCTGAAGCGATCTTCAATCCCTG  
TTGAGATCATACCAATCAAGCAAGCAGATCTGAGAAAGAATGGTGTCTATTGGCGTGAGAGAGGACAAACTG  
AAAGCACCGAATTTTCGTTTTACGGTTCTTAACCTTATTTGGCAAATTATAAAGGATGGGCAATGTTTGTG  
GATTGTGATTTCTGTATCTAGCTGATATTAAGGAACTGAGGGACTTAATTGACAATAAGTTTGCAGTTATGTG  
TGTCCACCATGATTATACTCCAAAAGAACTACAAAATGGATGGTGCAGTTCAACTGTTTACCCAAGGAAG  
AATTGGTCTTCAATGGTTTTGTACAATTGTGGGCATCCAAAGAACAAAGTGTTAACACCTGAGATTGTCAACAC  
TCAAACCTGGTGCATTTCTTCATAGATTTCAATGGCTTGAGGATAATGAAATTGGGTGAGTCCCATTGTTTGG  
ACTTTCTGAAGGCCATAACAAGATTGTGGAAGGTGATTAAACCACTCTCCCTAAAGCAATTCCTACTACTCGT  
GGTGGACCATGGTTTGAAGCTTGAAGAATTGTGAATTTGGAGATCTCTGGGTGAAAGAAATGGAGGAGTAT  
AAGAAGACTGAGAAGACATCTGAAGAATAGAAATCGAACATGAAAGTAAGTTCTCAAGGTTTAATTGTGGAA  
CTGATTTTTTTATTTTTGATATTTGCTTATAATTCTTTAGATTGGTTATGATTGGTTGAACTGTAGATTTAAATAT  
AGTATATCAGATTGTATGGAGGCCTGCGAAAATGATGGTTCGATGATTGTAGTAGTATTGTTACTGGGATTG  
TAGGAACATTATCTGTTCTGTAGTACTATTTGCTGTTGTTCTACATCTGTGCTTACAAATTCAGGGGGTGAAT  
TTCCTAAACATTCTTAAGGTATAGGTTTGAATCTCCTCCCTATTTTATTGTGTAATATTGTATAAGAAATGAAG  
AATATGGTTTCTAATTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_587 XM\_002869519|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cop1-interacting protein 7 (CIP7),  
mRNA

CTTCTAGTAAGTTTGGTACTGCGAGTTCTAAGCCTGGTGTATCTAAGATTGAGAAGCCAAAAAGCCAATCCCA  
GGTTCAAGAAGCCAAGAAGTCACCTAAGCCTGTACTTAGGAGTTCAACCATAGATCGCCTTGCAACTGCTCGT  
ACACCTCAGAAAGTATCTTCAACTCAATCACCATCAGTTCAACCAAATAAGCCAATCTCGAGAGCAAATGGCAT  
TAGGACTCCTACCTCAGCGGAAAAGCTCCCTAAAACCTGACAACAACAACGGATGGCAGGGGAAGACGTAGCAG  
CATTACGAGCTGAGTCAGAAATACGGAATGCAACTCAATCAATCGACAACATCGATGATGATATGGAAGATAT  
TAAGGAGGTACACACTACCCATTGAGTCGAGAAAAATGATGAACTTTTATTACTCAAGGAGATGCATTAGTT



GACAGAAGTGGTGATGCTAATTCAAATGACAAGGTTTTGTCTGTCCTCATCGAAGATAAACTTGAACAAAATC  
AGTTTAAAGTTGATGATGACGATGATATCAATTTATCTAAAGCACCTTTAGTTCTTAGCGAAGAAAAAATATT  
TCTAATGGTCACAATGAACTTACTCCTGGAAAGATGGTCGATTTTGTGGTTTTGTCCGACAAAGCCTTAGGCC  
TTCAGTCTTGAATACTGGAGAAAATGGGGTAGCTGATCATATTGTAGTCACACCCGAAATTTCTGAGATCGAA  
ATCTCAACTCCTCCTCCCTTGAGTAACGAGATGATCTCGGAGTATACAACCCACTCCAGGAAGAAATGGATGA  
GTGATGAAAACCTCTCCTAAAGCACCTAAAGGATTTAGAAAGCTGCTCTTTTTTGACGTAAAACCTGAAACACT  
TCCACAGAATGATCCTTCATCTCTCTATTCTCTCGTTAATTCAATTCCGTGCTAGCCGATGATTGTCTTGAGTTGT  
TTGTTGAGATTGAGTTGTTGAGTAAACCATGTTGGATGGACTGCTTAAATTGTTTGATTATTCTGCAGATAATA  
CGTGAGTGATGACTGAGACGAAGCAAATAGATGATCCTTGTTCTTAATAAGGCCATGGATGATGATGCTGCCA  
TGTTTGATTTGTGTTGTAATTTAATATTGTTTCATTTTCTACCCCTTTTCTATTGGAGTTGTAAAAGGTAAAGT  
TTCTTCATTTTTTTTCTGAGAGTTATAAAAGGCATTGTTTCCTTATTGAGTTGTATAATGTTATACAGTGTAAT  
AATTGTAAGTTCTGTTTATAAATTATGTTTGTAATTCAAACNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_588 BT009667|Arabidopsis thaliana At4g01860 gene, complete cds

ATCTAAAGTGGACATATCTGAAGCCAATACAGTAGGCTCTCAACCTGATTGTTCTACGTCTTCTGAACTGATTC  
TAAGCACCAGCAATTCCTCTTCTGAGTTGTGTGACATACAGCCTATTCATGTTGTAACCAATGCACATCAATCT  
GGCGTGAATTGTCTCCATGTAGCAGCCGTGAACAGTTCTGAATGTGTTAATAACTGTTACTTGTATCATGTGGT  
CAGTGGTGGTGATGATCAAGCACTTCAATGCCTTACGTTTGATTTATCATTGCTTTCTGAAAGCCCTAGTTCTG  
AGAAAAAGGAATCTGAATCTGAATGTGCAAAGTTTATATTTCATAGTGAAGACCATAATCACAAATATTTGGC  
CAGGTTTCTCAGACCTCACAAAATTGAATCAGCTCACAGTTCTGCTATAAAAGGTGTCTGGACGGATGGAATT  
TGGGTGTTTTCTACTGGTCTTGATCAAAGGATCAGGTGCTGGAACTTGAGGCACAGGGGAAGTTGGTCGAG  
TATGCTTACTCGATTACTGTGCCAGAACCAGAGGCCATTGATGCTAGAGCCTGTGACAGGAACCATTATC  
AAATTGCTGTAGCTGGAAGAGGCATGCAAATTATTGAGTTTTCTACATCTTGCGATTTTTGCAGAAGATGAAA  
ATAGGAAAATAACTTGATTCGTGTTGCCTTGTAATTCAATTACAAGTCAGAACAATCCTACATACCCCTCACA  
AGGTACTCGGAATCATCAAGACTCCTAGCCCATATGATCCAATAATTATGAACCCCTTGGGCTACCCCGTGTG  
CTCTTCTCTTTCTTCAAGTTTACACAATAACTGACATTCCCCATACTTAAACCAATTATTTAATTAGAAAGCTG  
AGAAAGCTTCTAAGCCATTCTTTCCATTAAAGAGTTGTTTTAGTGCGTCTTGACTCCTCTCTTCCATTCTTT  
CCTTGATTTTTCTTGGCCTTAAATGAATCTAGTGGGGCCCTATCAACTTGCTTTTTGATCTCTCCCTACCGTGG  
ATTCTGCATATGGTCTCTTTTCAAACAATCGGTAGTCTGACCTTCTAAGAGAACTAGAAAGCTTTCCCGTATC  
TTAATTTCTTTGAGTCATTTATAAGACATCGATGAGGAGAATTATAGGAGAATTAGTGATTTTTAGTTAATATT  
AGATTAGTTGTTAATTTATATTAATTAATTAGTGATTAGTATTTTTGGATTATTTGTTAGTTGTATTCTTTCTT  
GCAAGGCTATAAATAGCCATTTTAGGAGTGTAATAAGAACTTTTGATCATCATCTTAATATAGAACTAAAGTT  
CATTAGAGAGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_589 NM\_105217|Arabidopsis thaliana zinc finger protein-related (AT1G65430) mRNA,  
complete cds

TCCCACCATAAATGGAATCAGAGGATGAGCTCGACATGCACGATGCCCATGACGACGACGACGACTCTGTTG  
ACAATGAGGAGGACTTCTACAGTGGCGGCGACGACGATGCTCTGGCATTGACAGTGACGATGCTGATGTCGG  
TGATTATGAGTTTGTGATAATGATTCCGACGATTCCGACGACATGGTTTCTATCGCCACCAGCAAACTATA  
TAATCTTGCCGAGGCAGATATTCAACAATGTCAGGAGGAAGACATCACGAGAGTATCCACTGTTCTTTCTATTT  
CAAAAGTAGCCGCTAGCATCCTGCTCCGATATTATAACTGGAGTGTCAGTAAAGTGCATGATGAATGGTTTGC  
AGATGAAGAAAAGGTTTCGTAGATCTGTTGGCTTACTACAAAAACCAAGTGTGCGACATTCAAATGAATTAGAA  
CTACCTTGTTGATATGTTTTGAAATCTATCCACTTGATAAGATCCAGTCAGCTGCCTGTGGCCATCCATTTTGC

AATGCTTGATGGACAGGTTACATTAGCACATCTATCAATGATGGTCCAGGATGTCTAATGTTACGATGTCCACA  
TCCATCCTGTGGTGCTGCTATCGATCAAGATATGATAAATCTATTAGTTTCTGAAGACGACAAAAAAGTACT  
TTCGTTATTTTGCACGATCCTACGTCTGAAGACAATCGGAAGACCAAATGGTGCCCTGCTCCAGGATGTGATTAT  
GCTGTAGATTTTATAGTTGGAAGTGGAAGCTATGATGTTACTTGCAGATGCTCCTATAGCTTTTGCTGGAATTG  
TACTGAGGAAGCTCATCGTCTGCTGATTGTGTCACTGTAGCTAGATGGATATTGAAGAATAGTGCTGAGTCG  
GAAAATATGAACTGGATATTGGCAAATTCAAAACATTGTCTGAAGTGTAACGACCAATTGAGAAAAATCAAG  
GATGCATGCAGCTTACTCGCACACCACCTGTAAATTTGAGTTCTGCTGGCTTTACCTTGGTCCATGGTCTGAT  
CATGGAGAGAGGACAGGTGGATTCTATGCATGTAATCGCTATGAACTGCCAAGCAAGAGGGAGTGATGAT  
GATGCAGAAAAGCGAAGAGAGATGGCAAAGAATTCTCTGGAGAGGTATACACATTATTATGAAAGATGGGCT  
ACCAACCAATCGTCCAGGCAAAAGGCACTTGCGATCTCCATCAAATGCAGACCGTGCATCTGGAAAAGTTAA  
GTGACATTCAGTGCCAACCTCAATCACAGCTAAAATTCATAAGCGAAGCATGGCTACAGATTGTTGAGTGTAG  
GCGAGTCTTAAATGGACATATGCCTATGGATATTATCTACCTGAGCGTGAACATACCA

>trans\_c\_590 NM\_103822|Arabidopsis thaliana BURP domain-containing protein (AT1G49320)  
mRNA, complete cds

ATCTGCTTGATAAAATTCCTCAATGGGTTGTTACATCTTATTATTCTATTTGGTTGGAAGTGGACGTGAATCTGT  
TTATAACTTATCTCCATTATCACTTTCCTCCCTTAGATTTCTACTTTAAACGTTCAAAGTAATGGGAAGACCAA  
CCCCACTAAGAGGTCTCTTTTGCTTTATCAAAAGTAAGGTTTCAGCCTAAAGCAGAGTTCTCTGTTGGTAGGAG  
GAGTATAAGAGACGGTCATCTTTATATCAGAGGGGTTCTGTTGAGAAACAAAAAACTATCATACCGTGTTCGA  
TAGAACAAATTTAACACGAGGAAGAGATCATCACCAGAGAAAGATGGCTTTGCGTCTTGAAGTTACTTCTTGTT  
CTTTCATCCTCCTTAGTTTACTCATTGCAGTGGTTGTACAACAAAGTTCTGCTAGGAAATTAACGGATGGCTAT  
GATAAAGACATCGAACAGTTTGTGAATCTGAAAATTAATGATCAAACAAACACTCATATAAAGGAAGTTGATG  
ATGGTCACCCGAAGATGAGCAAAAAATCATAAGCATGCTCATGCATCATCTCACATGGAGCATTTAGATCCTTTA  
TTATATGTTTTCTTCACCTTGAGTGATTTGAAAGTTGGAAAAAAATGCCTATTTATTTTCTTACTCAAGGCCA  
TCAGAAACCCCAAACTTCTGCCTAAAGAAGAAGCGGATTCCATTCTTTCTCTACATCACAACCTGAATACCTT  
TTAACTCTATTCTCTTTTCAAAGGACTCTCCCAAACCAAAGCTGTTGAATATACTCTTAAGCAATGTGAGCTTG  
AATCCATCAAAGGAGAGACCAAATTCGTGCCACTTCTTTAAATCAATGTTGGATTTTGCTACTAAAATGTTG  
GGAGGTGATACCAATTGAAAGTCTTGACCACCACTCGTCTCTCAACTCCACTATCCTCCTTCAAACTATACA  
ATTTTGGAGGAACCTAGAGAAACAGTGGCTGCAAAAATGGTGACATGCCACAGCATGCCTTACCCTTATGCTA  
TTTTTACTGTCAATTGCCAAGAAAGCAACAACAGGCTGTTTGAGATTTTGCTAGGGGCTGACAATGGTGACAG  
AATGAAAGCAAGTGCCATCTGCCACATGGACACCTCTCAATGGGACAAAGATCATGCCTCATTTAAAGTTCTG  
AAAATAAACCAGGTGCTTCTCATGTTTGTCATTTTCTTCTACAGATAGTTTAGTTTGGTTAGCTGCCTAATGG  
AACCGTCTAGATTACCTACACATATATTTGCTTGACGGTTGATTATTTCTTTTGATTAGTTCTTGTTTGATT  
ATAGGTGGTTTGTAAGTTTTATATACTTATTAGTGTGTTATT

>trans\_c\_591 GQ869535|Fragaria chiloensis nodulin 26-like intrinsic protein (NIP2;1) mRNA,  
complete cds

AAAACAAATATACATTGGTCAATCCTCTCTTTTTCTCTTTTTCATGATTTACCCCTTTTTGGGTCTCTATAAATTC  
CATCTATTCTTCTGGGTTTTGGCACAATTCTGTGAAACAAACACAAATAAGTCTAACCAATCTCAAGAATCCTA  
CACTGTCTTTGCTCAACTCTGTTTGCTTTTTCTTCACTCAATCATATTCATGGCTGAGATTTAGGATCAAGCA  
ATGGACATCATTCTGTTTCTTTGAACATCAAAGATGAATCCACCGCCATCACCAGCAGAGAAGTAGCAGCTGA  
ATGGGTTTCTGTATCTTTCAATCAAAGTTGATTGCTGAGATTGTGGGGACATATTTCTTGATTTTTGCTGGTG  
GGGCATCAGTGGTTGTGAATTTGAGCAAAAGACAAAGTCATCACTTTCCAGGGATTTCAATTGTTTGGGGTTT  
GGTTGTAATGGTGATGGTTTATCCTGTTGGTCATATATCTGGTGCTCATTTCAACCCTCCTGTTACCATAGCCTT

TGCCACTACCAAGAGATTTCCATGGAAACAGGTGCCAGCTTATGTGATGTCTCAAGTTCTTGGATCAACATTG  
GCAGCTGGGACACTTAGGCTAATATTTAATGGACACGAAGATCACTTTTCAGGGACACTCCCAAGTGATTCAT  
ATTTGCAAACCTTTGTGATTGAATTCATCATCATTTTTATCTCATGTTTGTAGTGTCTGGTGTGCCACTGACA  
ACAGAGCTATTGGTGAACCTTGCTGGACTTGCTGTTGGTGCTACTGTTCTTCTCAACGTTATGTTTGCAGGGCCA  
ATTACAGGAGCATCCATGAATCCAGCCAGAAGTTTGGGACCTGCTATAGTATCAAGGCAATTCAAAGGGTTAT  
GGATATACATTGTAGCTCCCATTTTTGGTGCAATTACAGGTGCTTGGTTTACAATACAATCAGGTTCACTGAC  
AAGCCTCTACGAGAGATCACTAAAAGTGCTTCTTTTCTCAAAGGACAAAGTCGCAGAGGTTTCATCTTGAGGAG  
CTTTTGTCTTTCTCACTTTCTAATTCATAAAGATGAAATTTTTCTAAGTGGGGTTATAGCAAATTAAGAGCATTT  
TTCTTTTTGTTTTGTATTGCATAGTTAAAGAAGATGGCATTACTCAAATTGTTATAGTTTTAGTCTTAGTTTTATCC  
AAAAAACATGGACACGAACAACGTCCTTACTTCACATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_592 AY690424|Lycopersicon esculentum cultivar Rutgers glucose-6-phosphate  
isomerase (GPI) mRNA, complete cds

TGAGGCATTGGCGCCAGACAACCTCCACTTAAGATAAGATTTATTGACAATACAGACCCAGCAGGAATTGAT  
CATCAGATTGCACAACCTAGGACAGGAATTGGAACTACTCTTGTAATAGTGATCTCGAAGAGTGAGGCACTC  
CTGAAACTAGAAATGGTTTATTGGAAGTACAGAAGGCTTTTCGTGAAGCTGGCTTGGATTTTGCAAAACAGGG  
TGTTGCGGTAACACAAGAAAATTCATTGCTGGATAACACTGCAAGGATTGAGGGTTGGTTAGCCAGGTTCCCA  
ATGTTTGATTGGGTGGGTGGTAGAACATCAGAAATGTCTGCTGTTGGTCTTCTCCAGCTGCACTTCAGGGAA  
TTGACATTCGAGAAATGCTTGCTGGTGCTGCTTTGATGGATGATGCAACTAGATCAACTGAGATTAGAAATAA  
TCCTGCTGCATTACTTGCTTTGTGCTGGTATTGGGCTTCTGATGGGGTAGGATCTAAGGATATGGTTGTTCTTC  
CATAAAGGACAGTCTGCTATTGTTTAGTCGTTATTCGCAGCAACTGGTCATGGAATCCCTTGAAAAGAGTTT  
GACCTTGATGGAATCGGGTTAATCAGGGGCTTACAGTATATGGAACAAAGGGAGTACAGATCAACATGCC  
TATATTCAACAACCTGAGAGAAGGCGTGCATAATTTCTTCGTGACATGTATCGAAGTGCTGCGTGATAGACCC  
CTGGTCATGACTGGGAGCTTGAGCCAGGTGTTACATGTGGTGACTACCTTTTTGGTATGCTACAGGGAACAAG  
ATCTGCACTCTATGCTAATGATAGGGAATCCATCTCAGTCACTGTTCAAGAAGTGACTCCAAGATCCGTAGGC  
GCAATGGTAGCACTCTATGAAAGAGCTGTTGGATTATATGCCAGCATTATCAACATTAATGCATACCATCAACC  
TGGTGTGGAAGCTGGGAAGAAAGCTGCAGGGGAAGTGCTTGCTCTCAAAGCGTGTCTTGNCAGTACTTAA  
TGAGTCCAGCTGTAAAGAACCTGTGGAACCATTGACACTTGATGAAGTAGCTGAACGTTGTCATGCTCCTGAG  
GATATCGAAATGATTTAAAAGATTATTGCTCACATGGCCGCCAATGATAGAGCACTGATTGCTGAAGGCACTT  
GTGGCTCACCTCGCAGCATTAAAGGTATTCCTTGAGAGTGATGTTGATGATCTGTATGCTTAGCCTAAAAA  
CAGCAGTAATTGTTCTATATCTCATGCTGTTGGATCTCTTAATAAAATTGAAAGTACTTTTGCTATTCTGTGC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_593 BT006239|Arabidopsis thaliana At5g48970 mRNA, complete cds

ATGAAAATCTCTTCCCCTCACTCCTTCAATCTAGCCTCTTTTTCTCCTTTCCCAATTCTCACGTACAGACCTCTCTC  
TCTCTCTCCTTCAACGTATTCAATGGCGGCTCTTCAATTCTTCGCTGTTTCAGCCGCCTGTTTCAGGTTGTAGT  
TCGTACCTGAGGAGGCATGGTTTCTCCGCCGATGGAGGAGCCTGGACAATTGAAGCGCGCGATGATTGATTC  
GACTGCTGGCGCAATTGCTGGTTGTGTATCTCGGACGGTCACGTCTCCTCTCGACGTGATTAAGATCAGGTTTC  
AGGTTCAACTTGAGCCGACAACCTCATGGGCGTTGGTTCAAAGAAGTTTATCTGGACCATCAAATACACTGG  
CATGGTCCAAGCAACAAAGGATATTTTCAGAGAGGAAGGCTTACCGGGTTTTTGGCGTGGTAATGTTCTGCT  
CTGCTCATGGTTATGCCATATACAGCTATACAATTTACCGTTTTAAATAGACTGAAAACATATGCCGCTGGTTCT  
TCTAAGACAGAGGCCCAACAGTTGAGTCCATATCTCTTATATTAGTGGGGCACTGGCGGGGTGTGCAG

>trans\_c\_594 AY042890|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T6K21.50) mRNA, complete cds

>trans\_c\_595 GQ903690|Cucumis sativus cultivar EP326 glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase mRNA, complete cds

ATATTCCCCAACTCCCTCACATTTCACTACTCTCTTTCTTTCTCTCGAACCTTCTTCCAACCGATCTCCTAACTTTC  
TCATCAACCCAATGGCCAAGATCAAGATCGGAATCAATGGATTCTGGAAGAATCGGCAGGTTGGTTGCTAGAG  
TTGCTCTACAGAGAGATGATGTTGAACTCGTTGCTGTTAACGATCCTTTCATCACTACTGATTACATGACCTACA  
TGTTCAAGTACGACAGTGTTACGGTCACTGGAAGCACAGTGACGTGAAAGTTAAGGACTCTAAGACCCTTCT  
TTTTGGTGATAAGGCTGTCACTGTTTTTGGCGTCAGAAATCCGGAGGAGATCCCATGGGGTGAGACCGGTGC  
GGAATACATTGTAGAGTCTACCGGTGTTTTACCGACAAAGACAAAGCTGCTGCTCATTTGAAGGGTGGTGCT  
AAGAAGGTTATCATCTCTGCCCCAGCAAGGATGCCCCATGTTTGTTGTAGGAGTTAACGAGAAGGAATACA  
AGCCGGAGCTTAACGTTATTTCTAATGCTAGCTGCACAACCAACTGCCTTGCTCCTCTTGCAAAGGTTATCAAT  
GACAGATTCGGCATTGTTGAGGGTCTGATGACCACTGTTACGCAATCACTGCCACACAAAAGACTGTTGATG

GACCATCCAGCAAAGACTGGAGAGGTGGAAGAGCTGCTTCATTTAACATCATTCCTAGCAGCACTGGAGCTG  
CCAAGGCCGTCGGCAAAGTCCTTCCAGCATTGAATGGGAAATTAACCGGAATGTCTTCCGTGTTCTACCGTT  
GATGTCTCTGTTGTTGATCTTACAGTGAGGTTGGAAAAGGCAGCCTTATGAGGACATTAAGGCAGCTATCA  
AGGAAGAGTCTGAGGGAAAATTGAAGGGAATTTGGGGTACACTGAAGACGATGTCGTGTCATCTGACTTCG  
TGGGTGACAGCAGGTCAAGCATCTTTGATGCCAAGGCCGGAATTGCATTGAACGACAACCTTGTAAAGATTGT  
CTCGTGGTACGACAACGAAGTAGGATACAGTACTCGAGTCGTTGACTTGATTGTCCACATCGCCTCTGTCCAG  
TAAGATTGCTTGATGAAGTGAAGGGTCTTCTTAAGGTTCCATGGTTTTGTTCTTGTTCTCAGTACTAGAGA  
GACTCAGCGATGAGCGAGAATATGTTGAATAAAACAGAGTTTTCAAGCCGCCAGTTATTTATATTTCTTAAGTT  
GTACTGTCTTGTCTTCTTTTTTTGTTGAGACGATGTTGTGTGGGATTTCCACCCCTCTAGCGTGTGTATTTGTA  
ATGTTTTTTATTTGTAGCAAAAACCTCCCAACTCGAAATAGATTTGGTTTTTCC

>trans\_c\_596 NM\_001064715 | *Oryza sativa* Japonica Group Os06g0643700 (Os06g0643700)  
mRNA, complete cds

ATAACTTATTCCTCTTTTCAAAACACTTTCTTCAAAATTCTCAATTTCCAATCCATCTGCTCTACACAAGAACAAC  
AACAACAACAACAACAACAACAAGATTTTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGACGAACCA  
ACAGAGCAAATATGGAGAAAAGAAAACAGAGCAGCCAAGAAACGAGGGAGGAATTCGATTGGTTTTCTTC  
AAGGAATTGCCCGATTATATGAAAGATAATGAGTTCATTCTTCATTATTATAGAGCCCAATGGCCTTTGAAGCG  
TGCTCTTCTTAGCGTTTTTCAATGGCACAACGAAACCCTAAATGTTTGGACGCATTTGATTGGATTTGTTTTGTT  
CTTGGGATTGTGTTTGGCGAATTTGATGGAAGAAATTCCTCAAGTGGCGGATCTCTTCGGCTTTTTTCCAGGT  
CCATGCTCACTTCTCTCTATACAAACATTTCTCTATGCTTCAAAAGATTTCAATTGGAAGCACAGCACCAGAGC  
TAATGGAATTAGCCGGAACCATCCTCCATACGACGGCCCCGCCACTTCCGTTGGCCACATAAATCAATAATA  
ACCAACAGATCGAGCACAGAACGGTGGCCGTTCTTCGTATTCTTAAGTGGCTCAATGTTCTGTCTTCTCTCAAG  
CAGCATTTGCCATCTCTTTTGTGTGTCATTCTCATCCTCTAAATATCCTATTACTCCGAATAGATTATGTCGGAATC  
ACCGTCATGATCATCACCTCCTTTTTCCCTCCAATTTACTACATCTTTCAATGTGATCCCTCTGGCAAATCGTCT  
ACCTCGCCGGAATCACCTCATGGGCACCTTTCACAGTCGTCACTCTCCTCTCTACCTCTCTCTCCACCGGAAAAT  
TCCGGTCATTAGAGCTCTCCTCTTCGTCTCCATGGGCCTCTTCGGCATCATTCAGCAATCCACTCGGCGGTG  
GTTAATTGGGGAAATCCTCGCCGGAATATAACTCTGGCTTACGAGGGAGCGATGGCTCTGTTTTACCTAAGTG  
GAACCGGGTTTTATGTGAGCCGGGTACCGGAAAGGTGGTTGCCGGGGCGGTTGATCTGGCGGGACATAGC  
CATCAATTGTTTCATGTATTGGTGGTTTTTGGTGCATTGGCCATTATGGTGCTACTCTTGTTTTGTTGGAGTGG  
CGTCAGAAATTTGGGTGTCAAAATTTCAATTAGTACCCAATTGTTAGTTTATTTGTAATTTGGGAATTTATG  
GGCTTATAATTTATTGATTTATTTATTAGCTATTTTCTCGATTTTCTCACAAAATGGGGGATGTCGGTTCCTG  
TTTTCTTTGAAATTAGAAGTGCTTATTGTAATAAATAAA

>trans\_c\_597 AF331163 | *Gossypium hirsutum* delta-12 fatty acid desaturase (FAD2) gene,  
complete cds

ATCCCGAACCTCTGCCTTGCAATCCAATGCTGTATTCAAGTCAAGCTCATACAAATTCACAGATGAATAAATTC  
CTTGAGACCATGGCTGATTGGTATCGATATGCTGATAACAGAAAGAAAATTGTTGGGTTTTGTGCATATGTTA  
TTCGTAGCTCATTAGCTAAACTCTACGCTGCTAGGTATCGACTAAAATCTCGAGCCAAAGTATATAGGATTGCA  
TCGCGGAATTTAAGCCGTCCGTTGATAGAGAGTAGTAATAATTCAGCACCCGAGTATTCTGATCTTCTGAGAA  
TGGGACTTGTAGATGCAATTGAAGGTGTGCAGTTCTCCGCATGTCTATGATTCCCTCTTGATTACACTCCC  
CTCCCTCGGAACTGGGTCCCATATCATGAGAACATATTGCGAGAGTACATAAAGTTGCAAAATCCAGGGTTAT  
ACTCTGAATTGCATAGCGTAGTCAAGAGACAAGGGTTGAGTTTGCCTCAAGAGGAGATATCTGAAATTGTGT  
GGAGCTACAAAATCCTTGGTTCCTGGCACTTTAAGACTAATGTAGGAAATGAAATGGAAGGCGGTTGAAGAA  
AAAATGGGAAGCGTGTTGTTAAGTTGCCATGTAATACGAACTGAATTGAACGACGGGTACTTCCAGAGTTG

GTTTCGTCGACTGAGTTTGGCACACGTTTCTGGACAGGTATGTATTTTACTCTCATTAAAGATGCAAAATCACTGA  
AATGTTAAAGGCAAACCTCTCATCAGTCCACGGAGTTCTTTTGGTCATTTGTTCCGTAGATCATATTGATTTGTTT  
CCAACCAAGAGAATAATTACATTGATAACGAAATTACAGAGAGGGGAAATCAAGAGACAACATCACACAATAA  
CAAGGGAAGAGAGATAAATGCCTCTACGCTTTGTGGAATAAGGTACTGCCTGAAACCACCATAGTATGGAAC  
TTTTGGTGATATTCTATTTAATTCTTTACCACATGTCTGGTGTGGAAGTTATTCAATTTGCCTTGACATGGA  
CAGAAATCCAAGCCAGAAAACCGTAGGAAGTGCTTCTGATTTTTAGTTTCTATCAGTTGATTGTAAAGAGAA  
AAACATAATTCGTATGATTGGATACACTTCTTAGGAACCAATTATAAGAGAAACAAAGAAAACCTATATTGCAC  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCC  
CAAAAAATTTTAAAAAACCCCCAACCCCCGGGGGGGGCCCCGACCCCATTTCCCCCAA

>trans\_c\_598 XM\_002888696|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata band 7 family protein, mRNA

AAAGCCAAACGCGCAAAGCAAATCAACCATTTTCTCTGCCAACGGATTGAACGAAAAGTATAATCACCGCTG  
CAAATTACAAAAGCGAAAGCCCGTCGTTTTCTGTTTGTCTTCGACGCAATCACTTCTCTTTCCGTCTTTCT  
TCTATTTTATAAGGATCACCTAAATTTTGATTTATTCGATTTCTTTTCTGGACATCAACAGTGATTTTGTGATA  
ACTCAGAATGGGTCAAGCCTTAGGTTGCATTCAAGTCGACCAGTCAACTGTAGCAATCAGAGAAACGTTTGGG  
AAATTTGACGATGTGCTTCAACCTGGTTGCCATTGTCTACCATGGTGCCTTGGGAGCCAGATAGCTGGTCATCT  
TTCTTTACGTCTCCAGCAGCTTGATGTTGCTGTGAGACAAAGACAAAGGACAATGTTTTTGTCACTGTCGTTG  
CCTCTATTCAATACCGAGCCCTAGCAGACAAGGCTTCAGATGCTTTTTATAAGCTTAGTAATACAAGAGAACAG  
ATCCAGGCATACGTTTTTGATGTTATTAGGGCAAGTGTTCCAAAGTTGGACCTAGATTCTACTTTGAAACAGAA  
GAATGATATTGCAAAGGCCGTCGAAGATGAGCTGGAGAAGGCCATGTCAGCTTATGGATACGAGATAGTTCA  
AACTCTAATTGTGGACATTGAGCCAGATGAGCATGTAAAGCGAGCAATGAATGAAATAAATGCAGCTGCGAG  
ACTGAGAGTTGCTGCAACTGAGAAAGCTGAGGCAGAGAAGATATTGCAGATTAAGAGAGCTGAAGGAGATG  
CCGAATCCAAGTATCTGGCCGGGCTTGGTATTGCACGGCAGCGTCAAGCCATTGTTGACGGGCTCAGAGACA  
GTGTACTAGCATTTGCTGAAAACGTCCCTGGAACGACGTCTAAGGATGTCATGGACATGGTTCTTGTGACTCA  
ATACTTCGACACGATGAAGGAGATTGGAGCGTCATCAAAGTCTAATTCTGTGTTTCATTCCACATGGACCTGGT  
GCAGTTAAAGATATTGCTTCACAGATCAGGGATGGTCTTCTTCAAGCAAGCCAAACTCAGTAGATGGGTCAAG  
ATTGAAGATACTTGTGAAGATGGTATATATATTAAGTGTGTAGAATATGATATTTGTTTGTGTACGGGTTTGGT  
TGTTTTGTTTAATTTGCAAATTTATGTTCTGTGTTACGACTGATACATATAGTTATCTTTTAAATGAATAGTGCTC  
TAAATAAATAGTCACTCTCTTAATCAAGTGATTTAATAATAAGCCTTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_599 NM\_001062278|Oryza sativa Japonica Group Os05g0458100 (Os05g0458100)  
mRNA, complete cds

ACTCAATCCCGCCGCTTATGGCCAACAGCCGCGACGATCCGACCCGCACCCGATATTTCTGCTCAGAATCGGC  
CCGATTTTTCCCATTTCCCTTCTGGATAAGAAAAAGAAAGAACTCATAGGTGGAAGTAATCTTGGATCTCA  
ATTTTCAAAGTAAAGAACCAAAACTGAGTATATTCACACTTGGTGAGCAATGGGCGATACGATAGACTTAA  
CAGGGAATGGAGGTGTTCTGAAGACGATTGTAAAGCATGCCAAAGCCGACGCTGATGGTCCAACCGATGACC  
TTCCTCTTGTTGATGTACATTATGAAGGAACTCTAGCAGAATCTGGCGTAGTATTTGATTCAACTCGCGAAGAC  
AATACTGTTTTCTCTTTGAGCTTGGAAAAGGATCCGTGATCCAGGCATGGGAAATTGCCGTCAAGACAATGA  
AGGTCGGAGAGGTTGCAAAAATCACATGCAAGCCAGAATATGCTTATGGAGTTGCTGGTTCTCCACCGGACA  
TCCCACCAGAAGCAACTCTTATCTTTGAGGTGGAATTAGTGGCCTGCAAGCCCCGGAAGGTTCAAGTCTAGG  
CAGCGTTTCTGAGGAAAGGGCTAGGCTGGAAGAGTTGAAAAGGCAAGGGAGGCTACTGCTGCATTGAAAG  
AAGAGGAGAAGAAAAAGAGAGATGAAGCCAAAGCAGCGCAGCTGCTCGGATGCAAGCCAAGTTAGAGTC

CAAAAAGGGCGGAAAGGGGAAGAGCAAAGCAAATAATTTTCATGTTACAGTGTTAAAAGATCAGTTAAACAA  
AATAAATGAGATAGAACTTTGGAGTCATGGATTTGTAATACATTTGAATTTGCTAAATACATTTGAATTTGCT  
GTAGCAAAATAGGATGATACAGTGAAATTGAGTCACGTTGCTTAGTATTTTCATTGTATTCTGGATATTAACAA  
GCATTTTGCTTGTAAATTTACCGATTAGCTGAGAATAAAAAGACCCTTTTTTTACCGCCAGATGATTTTCTTTT  
GGTATTTAGCTATAGAGGGTTGGAATAATACATTGAAGACAGTGAAAGAACAAAATTCTCCTCACTCACAATG  
GTCAGAGACTATATCACAAACGATCAACTTCAAGAATACAATTAATGGCTCGTCAGAAGTTCAAAGATATACA  
AAACGGCAACTCCAATTTCTGTAATCCCTACCCTAAACCTAATTACACCATGTCTGCCCATATCCTTTGCTTTTAA  
TAAGGCATCAAGCATTGTTTGATAACTTGCTGTGCATCCAGGACTAAACCATATAAGCATCGGTTTCGCCTTGC  
CCCTGTTCTGACCATCCGGATACTGCTCTGAATTTACAGACAGGGCACGTTCCCTG

>trans\_c\_600 X75327|P.sativum (Rosakrone) mRNA for nonphosphorylating, NADP-specific,  
glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase

AGGTGTTAGGATTTTGGGTGAAGGGAAGTTCTTGGTTTCTGATAGTTTCCCTGGAAATGAAAGGACCAAATAT  
TGCCTTACTTCCAAGATCCCTCTTGGTGTGATTTAGCCATTCTCCATTCAACTATCCTGTCAATCTGGCTGTTT  
CAAAAATTGCCCCGGCTTTAATTGCTGGAAATTCTATTGTACTGAAGCCTCCAACCTCAGGGCGCTGTTTCTGCT  
CTCCACATGGTACATTGCTTCCATCTAGCTGGTTTTCTAAAGGCCTTATTAGTTGTGTACGCGGAAAAGGTTT  
CGAGATTGGTGATTTCTCACAATGCATCCGGGTGTGACTGTATAAGCTTTACCGGTGGGGATACCGGTATT  
GCAATTTCAAAGAAGGCAGGCATGATACCTCTTCAGATGGAATTGGGGGAAAAGACGCCTGCATTGTGCTC  
GAGGATGCAGATCTTGATTTAGTTGCCGCTAACATCATAAAGGGAGGCTTTTCTTACAGTGGCCAAAGGTGTA  
CTGCCGTCAAGGTTGTTTTGCCAATGGAATCTGTGCGAAATTCTTAGTCGAGAAAGTAAAGGCACGAGTGGC  
TAAATTAAGTGTGGTGCCCTGAAGACGACTCAGACATTACTCCAGTTGTGACTGAGTCATCGGCGAATTTCA  
TTGAAGGGCTGGTTATGGATGCAAAGGAAAAGGGTGCAACATTTTGCCAAGAGTACAAAAGAGAGGGGCAAC  
CTAATTTGGCCCTTGTTATTAGATAATGTTAGGCCTGATATGAGGATTGCATGGGAGGAACCTTTTGGCCAG  
TTTTGCCAGTCATTAGGATCAATTCTATCGAAGAAGGAATCCACCATTGTAATGCTAGCAATTTTGGACTTCAG  
GGATGTGTCTTCACGAAGGACATCAACAAGGCGATATTGATAAGCGACGCAATGGAAACCGGAACAGTTCAA  
ATCAACTCAGCACCTGCTCGAGGACCCGATCATTTCCATTCCAGGGAACCAAGGACAGTGGAAATTGGTTCTC  
AAGGTGTTACTAACAGCATCAACATGATGACGAAAGTGAAGACCACAGTTATCAACTTGCCAACACCGTCCTA  
CACCATGGGTAGTTAGTTTGTGTTAGCTTTATGATCCAGCTTTATGCCTTAGTTTTAATCTAAGTAGTGTGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACATATGTGGTGCGAGTTTTGTTGTAGCTCTTCAATATTATCTTCATCCTCTTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGAGTTTCATGCTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_601 EF433420|Glycine max cysteine synthase (OAS-TL1) mRNA, complete cds

CCCTGCTCTCGGATTCTCAGATAAGCTTTTCGCTGCTGCATACTTGTTGCCCAAATGGTTGATACAAAGTCTAC  
AATAGCTAAAGATGTTACTGAACTAATTGGGAATACACCACTTGATATCTCAACCGTGTTGTTGATGGCTGCG  
TGGCTCGGGTAGCTGCCAAGTTGGAGATGATGGAGCCTTGCTCTAGTGTCAAAGATAGGATTGGCTATAGCA  
TGATTTAGATGCAGAAAAGAACGGTTTGATCTCTCTGGGGAGAGTGTCTTGATCGAACCTACCAAGTGGTAA  
TACTGGTATAGGCTTGGCCTTCATTGCTGCTGCCGAGGGTTATAAGCTTATAATTTGCATGCCTGCATCAATGA  
GTCTTGAAAGAAGAACCATCCTTCGAGCTTTTGGAGCTGAACTGGTTCTCACAGATCCAGCTAGGGGGATGAA  
AGGCGCAGTTCAGAAGGCCGAAGAGATAAAAGCAAAAACACCTAATTCTTACATCCTTCAGCAATTTGAAAAAC  
CCTGCTAACCCAAAGATCCACTATGAGACCACTGGCCAGAGATATGGAAGGGATCGGGTGAAAGGTTGAT  
GCACTTGTCTCTGGTATAGGGACTGGAGGTACGGTGACAGGTGCAGGGAAGTATCTCAAAGAACAAAATCCT  
AGTATTAAGTTATATGGCGTGGAACCTGTTGAAAGTGCAATTCTATCTGGAGGAAAGCCTGGCCACATAAAAA  
TCCAAGGAATTGGGGCAGGCTTCATCCCTGGAGTTTTGGACGTCAATTTGCTAGATGAAGTTGTTCAAGTATC

AAGTGAAGAATCTATTGAAATGGCAAAGCTGCTTGCATTGAAAGAAGGTCTACTGGTTGGTATATCATCCGGT  
GCTGCTGCAGCTGCTGCAATTAAGCTTGCAAAGAGACCAGAAAATGCTGGAAAACCTTATTGTTGCGGTGTTCC  
CGAGTTTTGGAGAACGATACCTCTCAACTGTGCTGTTGAGTCTGTGAAACGAGAGACCGAGAATATGACTTT  
CGAGCCATGAGAAGTTTAGGTGATATTTTCTTGCTTCAAATGGAGCCAGACAGTTAGAAGTTTCTCGGCAAAT  
ATCACATGAGTCAAAGCAAAGAAAGAAAGTGAAGTCAAGCGTTCTTTTTTTAGCTTTCTATTCTTTTGCATAT  
TCCTGTAGTGATTTGAATAACTTGTTCTTGAATGGCTTCTTTCTTTATGGTTTGCTTAGTTTTAGTGAATAAAC  
ACCGAAGCAACTGAGAATAAGGATAGTCTTTTCATGTGTTCCCTTCACTTGAATAAGGTTATTGAATGAGTAGTT  
TCTTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_602 NM\_126994|Arabidopsis thaliana PIP; aminopeptidase (PIP) mRNA, complete cds

TTACCACTTGACGATGAGCTTGTTAGGCCTTTGCCCTAACAACTCCCCTTCTCCTCTTTTCTCCCTCTCCAATTTT  
CATTTTCGTCTCCCCGTCCCTCGCCTCTACAATCATTGCTGCCTGAAAGGGGCAAAGGTCCGGTCTTTACAGC  
ACAATTGGGTTATAAAAGCGACAGGCAGAGTGAGTTCCAACCAAAGGATTGATGGCTGGAGAAAAGGAAA  
TTTCAGGAATAAATAGAAACCTTACCCACCCATTGAGCCATACAGTACTGGTTTTTTGAAAGTGTCGGATCTT  
CATACTATTTATTGGGAGCAATCTGGAATCCCACTGGTCATCCAGTGGTCTTTCTACATGGAGGACCAGGGG  
GAGGAACTGCTCCAGGCAATAGAAGATTCTTTGACCCAGATTTTATAGAATTATTTTATTGATCAGCGAGGT  
GCCGGGAAAAGTACACCACATGCTTGCTTGAGGATAATACCACGTGGAACCTCATTGATGATATTGAGAAG  
CTAAGGGAACACTTGGAATTCCAGAGTGGCAGGTCCTTGAGGTTCTGGGGTAGTACGTTGGCTCTTGCTT  
ACAGTCAACCTCATCCGAAAAGGTTACGGGATTAGTTCTTAGAGGGATCTTTCTTCTGCGGAAAAAAGAAAT  
TGATTGGTTTTATGAAGTGGTGCTGCCGCTATATATCCTGATGCTTGGGAGTCTTTTAGAGATCTCATTCCCC  
AAAGTGAGAGAGGATGTTTTGTTGATGCTTATAGTAAAAGAATGAATTCAAAGGATATGGAAACCCAATATG  
CAGCTGCTAGAGCGTGAACCAAATGGGAAATGATGACTGCTCATCTTTGCCAAATGAGGAGAACATCAAAA  
GAGGGGAAGATGATAATTTTTCATTGGCATTGCAAGGATTGAAAACCTTACTTCGTAAATAAGGGTTTTTTC  
CCTTCTGATTCTTTCTGCTAGATAATATTGACAAGATACGACATATCAATGCTGTAATTGTACAGGGAAGATA  
TGACGTTTGCTGTCCAATGATGTCTGCTTGGGATCTTCATAAAGTGTGGCCCGAAGCGGAATTAAAGATCATT  
TCCGATGCAGGACATTCTGCTAATGAGCCTGGAATAGCTGCGGAGCTCGTGGCTGCTATTGAGAAGCTGAAG  
AACATCCTCCAGAAGAATGGACCATAGTAACACTCCCAAGTCTAAGTATATTTCTCACAATTCTACTCATCTAA  
TAAACAAGTCAACGGAATCTGAAATAAATTGGGGGATGCCAAAGTGATTGTTTAGTGGCATTGTGAATGCT  
TTGAACATTGGTCATTTCTGAAATGCAAAGGTCAGAGAGACTTCCAACGA

>trans\_c\_603 XM\_002889363|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Os01g0254000, mRNA

AAATAATAAGAAAGAGGAAATTAATTTAATTAGAAGGAATTGGATCCGAAATAGAGAAAGGAGGGGAGAG  
GAGAGGAGAGGAGAGGAGAGGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGATATTTTGATTTACATTACA  
GTTTTACATTACAACCCAAACAACAACAACAACAAAAGCTGTATTTTCGATCCCTTCTCTATTTCTCCCAT  
CTTCTTCTCCAATTCCCAATTCCCAATTCTCAATTCCACATCCCTTCTGGGTTTCAGATCGAAGACCT  
TAACCATTGAGATTCCTTAATCGCCGACCTAGATCCCTCCGATCTGCTTTCCCAATGTTCTCATTGACTGGTT  
CTATGGCGTCTTGGCCTCCCTCGGTCTCTGGCAAAGGAGGCCAAGATCCTCTTCTCGGCCTCGATAATGCA  
GGAAAAACCACCCTCCTTCATATGTTGAAAGATGAGAGGTTAGTTCAGCATCAGCCTACCCAGTACCCACGT  
CCGAGGAGTTGAGTATTGAAAAATCAAATTCAGGCCTTTGATTGGGCGGACATCAAATTGCTCGTAGAGT  
CTGGAAGGATTATTATGCTAAGGTAGATGCTGTCGTGTACCTGGTTGATGCCTTTGACAAAGAGAGGTTTGCA  
GAATCAAAAAAGGAGCTCGATGCTCTTCTCTCTGATGAGTCTTGTCTACTGTGCCATTCTTATTTTGGGCAA  
CAAGATTGACATTCCATATGCTGCCTCAGAGGATGAATTGCGGTATCACCTCGGTTTGACCAACTTCACCACAG  
GCAAGGGGAAAAGTAAATCTGGCTGATTCAAACGTACGTCCATTAGAGGTATTCATGTGCAGTATTGTTTCGCAA  
AATGGGCTATGGCGATGGTTTCAAGTGGATGTCTCAATACATCAAGTAGGTGAGATCAATAGAGTATGTCATA



CAGTTTCATGAATTGATGAAATCCCACCGTCCAAAGCCCCTTCAAGTCGTCAACGTACGGATTGCAGTTTGATA  
TTCAGTGTGTTAAGAGGGGCTTTAAGTTGAACTTTTTTTTTGCTTTCAGATGATGTGTGGAAGGAGGTAATA  
GCTTACTATGTAAAAATTCATTTCCTTACCTCAAGTTTATTATTTTTGACATTCTTATCTCTTGTATTTCATCTG  
ACTGGTTAGATGCGCTTTTCTAATTGTTGTTTTTCAACTCTAGTTACAGGTGGAAGGTCTGAGAAAGTAAAAAC  
TTGGACTTGAGGGGCATTTCATGAAAACCTGATTAAGATATTTTTTTGGGGTTCTGAATAAGAAATCATAGCTGT  
TTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_604 AF480487|Nicotiana tabacum Rar1 (Rar1) mRNA, complete cds

ACAACCCGCACTCTTTTCGTTTTGCTTCAGCCGAACAGCAGCGTCCCATCGCCGGACCTTCTCATCCACCCACCT  
GTTACGTCTCCGGTAGAGTCAAGCGAATCCGGCGAACAACCTGCGTCGCGACGTCCAATATCGTGAGCTGTGTC  
CTCCACGACCGGTGACGTTTTTGTGACGGGCGACCCTCAGTTCTCGCTTTCAGAAGCTTTTCGTCCTTTTCGCTA  
TGGAGCAACAGATTGTTGGGCTTCGCTGCCAGAGAATTGGCTGCAATGCCTTGTTCACTGAGGAAGACAATCC  
CAAAGGTTCTGTCAATACCATGATTCGGGACCTATATTTTCATGATGGGATGAAAGAATGGAGCTGTTGCAAG  
AAAAGAAGCCACGACTTCAGCTTATTTTTGGAGATTCCAGGATGCAAGACCGGAAAACATACAACCTGAAAAG  
CCAGTTTTGACCAAGCCAACCACTGCTGTTAAGAAGTTAAGTCCTCCTTGTCTTCCATGACAAATGCATTAGG  
GAAAGAGTCATGTGCTAGGTGTCAGCAAGGTTTCTTCTGTTTCAGACCATGGTACACAAATTAAAGGCACCAAC  
AAATCTATTAATGAAACCTCAACTATACCCGGTGCAAGCAATACTGATACTCAGGCCCTCCAACAAAAAAA  
AGAAATTGGTATTAATGAACCTCAGATCTGCAAGAATAAGGGGTGTGGTAAAACTTTTCACAGAGATGGAGAA  
TCATGAAACTGCCTGCAGTTACCACCCCGACCTCCTGTTTTTCATGATCGGTTGAGAGGGGTGAGATCATATA  
TTTACTAACTTTAAAAACACCTTTTTTTTTTTTTTGTGTCATGGCGTTCAATTATAGATTTATCAACTACCGAT  
ATTGATGCTTCTATGTTTGATTTAAAGTGGAATGCTGCAACATTCACGTTAAGGAATTTGACGAGTTCATGG  
AAATTCCTCCCTGCTCTCGTGGTTGGCACAATGCCGATCCAGCATAACTAAACAACATAGCCATATAAGGTATT  
GAGGTTCTTGCATTTTAGAAGAATGCACTAACCTTTGGAATTCTGTTTCAGTTGGTTTTTCTTCTTATTCGAT  
GAAATCTCTCAATCTAGACAAATTTATATATTGCATATTTCTCCACTCCATCTTCCTTCCAGAATTGATTGAACTA  
CCAGAAGCTTTGCAAAGATAATCTATTTACTTCCGAGATAAATATCATAATAATTTATATGGTACAGGGTTTAC  
CATGAACTTTTATTGGACTTGTTTTGTAGTACAACCTTGTTTCTATGAAGATATTGGAAGGTGGACTGGTTG  
GTCGTATCTGATTCCGACATTCATTTCTTATGGCTTAT

>trans\_c\_605 XM\_002331844|Populus trichocarpa actin 9 (ACT9), mRNA

AGAACACCCAGTTCTTCTCACTGAAGCTCCTCTCAATCCTAAAGCCAACAGAGAAAAGATGACACAGATCATG  
TTTGAAACTTTTAATGTACCTGCCATGTATGTTGCCATCCAGGCCGTTCTATCACTGTATGCTAGTGGTCGTACA  
ACAGGTATTGTGCTCGACTCTGGTGATGGTGTTAGTCATACTGTGCCAATCTATGAGGGTTATGCTCTTCCCCA  
TGCTATCCTCCGTCTCGACCTTGCTGGTCGTGATCTAACTGATGCTTTGATGAAGATTCTCACTGAGAGAGGGT  
ACATGTTCAACAACCACTGCCGAACGGGAAATTGTCCGTGACATGAAAGAGAAGCTTGCTTATGTTGCACTCGA  
CTATGAGCAGGAACCTGAGACTGCTAAGAGTAGCTCCTCAATTGAGAAGAACTATGAACTGCCCCGATGGACA  
AGTCATCACAATTGGAGCTGAGAGATTCCGTTGCCCCGAAGTTCTTTCCAGCCATCCCTCATTGGAATGGAAG  
CTGCTGGAATCCACGAGACTACCTACAACCTCAATCATGAAGTGTGATGTGGATATCAGAAAAGATTTGTATGG  
CAACATTGTTCTCAGTGGTGGTTCTACCATGTTCCCTGGTATCGCTGACCGTATGAGCAAAGAGATCACAGCTC  
TTGCTCCCAGCAGCATGAAAATCAAGGTGCTTGCAACCCGGAAAGGAAATACAGTGTCTGGATTGGAGGAT  
CCATCCTTGATCGCTCAGTACCTTCAGCAGATGTGGATCTCAAAGGGTGAGTACGACGAATCTGGCCCATC  
CATCGTCCACAGGAAGTGCTTCTAAGTTCAATATGTGCTTTGAATGGTGAGTTATTTCTTTAGTTGGCTTTTTT  
TGTGTCATGTGTAATGTGAACTCTTCGGTTGAGCTCAGATACGGGTCATGGAAGGAGGGTATATTTCTGAGG  
TCATTCATTCATATGCCATTGCTTTTCCCCGCCTAAACCCCTATGAGTTTGAGATTGTAATACTACTGTGTATT  
TACGGGTAAAGAAGTAATTGACCCTCTGGATGTTTACACCACCGTTGGTGGGCAAAAACAACCTTCTTCCAAA

ATCTTTCCCTTGCCTACCTTTGCCAAATCTGTGCTTGCAACCATGTCCTTTCTTAGTAGGAGATGATTGTGAT  
GTTTTTTTTCTTTACCTTTATCCTTCTCTTATCTCCTCCTATTTCTATTCCGAGTTCTTTCTTTTTTTGAAAA  
ATTAATGTTAATAGTTATTGTAAGACAAATATTAGTCAGTTTGCTCCTTGAGGTCATAAACTTAGCTATGCAA  
ATGATATTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_606 BT026060|Arabidopsis thaliana At4g32750 mRNA, complete cds

ATTTCAACTAGGGTTCATCGGAGATCGTCGTAACCTCGTCGATCCAAGATCGAAGATCAATTTTCTCCTCCAGA  
AACCACGATTTGTCGGCATTATTCAAACTTTTCTAGCTAAGTAGTTGCAATTCGATACTGTACAAGCTGGTTGT  
GCTTCTCTTCTCGTCTGTCCATGTGTTTGGTTTCTTGCTCTTTCTTGAAAAGCATCGATGGTTCGCGCGATC  
CAGTATATATGCGGCATGTGAAGAATTAGGGTCTGAGAGAAGATTTCTATTAGTTAGATTTTTCTTGATTG  
GTTCCGAGTTCGGTTTTGCGCGGGGAGGATTTTTTTTTTTTTTTGGTTCAAATGGCGATTATTGGAGATGCGC  
TTCGCCAGGCGTTTATGCCGAAGCACGAGTATGAGAATCTTCGCGAAGAAGAAAAAGCTTGGGGCAAACCTC  
AGAAACCAATGGTAATGGCTCTTGTCGCCTTGATAGGGCTCGCAATTATTGTTGCACTACCATCAGTTTGAAC  
ATAGTCTTCCCTGACGACATCGGAAATAGACCGTTCTGCAGCGACAGGAGGCTTCAGCCTCTTCCCATGATGA  
ACGGGAAAGGAGGCGAATCTGATCATTCTTGAGCTTTTACCTCACTAATCAAGAAATCGTGGACTATTAT  
TGGATGCTGGTGTTTATCCCTCAGTAGTCGATTTCTTGATCCGCTGTCTATCTTGTTGCCGGCATAGTTGTT  
GCTTATTCTGCTCCAAGTAGACATGGTTGCTTGAAGGTTGTTGAGAATAGCTACTGTGCATCCAGAAGAGGTG  
GGTTCGCTGTCTTACCATCCTGAATGTTGTTTTGCCATCATCTTTGGCCTCTTGGCATTATTTCTTGTTCAAG  
TCTTCTCACCTTGGGTGGCAGCTGCTCTGTGCCCTGTTTTGGTGCTATGAGATTCATCATGGGGTCTAGTTAT  
TCTCTATGGAGGAACTGCTTTTTCTTAAGGCGAAAATCAGCTACAATTCTCAGCGAGGGAGACCTCGGTGGT  
AGAAACCTTGGTTTGAAATGTTGGTTGCAAATCCTATGGAAATCACTCCTGATATGGAAAGGCGTGTCAATG  
AAGGATTCAAAGCTTGGATGGGATCTTCTCTTATCCTCTGATGAAGAAGATGAACCTGATAGCTATGAAGA  
AGTAACATCCCATATGAACCATGCTAACTTTAACAACGGCCACATTGTGTGATACATTTTCTTCGATTCAAGT  
GATGACAGGTAAATTTTAGTTCATTGGAGACCCGTAGTAGTCAGTCACAGAAGTATATAGATGGCTGTTTGT  
GGAGAATTGGCTGATATTTGATGCAACCAACCCGAATAC

>trans\_c\_607 NM\_106063|Arabidopsis thaliana IMS1 (2-ISOPROPYLMALATE SYNTHASE 1); 2-  
isopropylmalate synthase (IMS1) mRNA, complete cds

ATTGCTGATATAAAATCTAATACTCCTGGCATTGAAAATGTTATCATTTCAACACACTGCCAGAATGATCTTGG  
ACTAGCAACTGCTAACACAGTAGCAGGGGCATGTGCAGGTGCAAGGCAAGTTGAGGTCACAATTAATGGCAT  
TGGTGAGAGAGCTGGAAATGCTTCACTAGAGGAGGTGGTAATGGCCTTACAATGTCGTGGAGAGCATGTGCT  
TGGAGGTCTTCATACTGGAATTAACCAAGACATATCTTTTAACTAGCAAGATGGTAGAAGAGTTCACTGGTT  
TGAATGTACAACCACACAAGGCTATTGTGCGAGCTAATGCTTTTGCTCATGCAAGTGGCATCCACCAGGATGG  
GATGCTTAAGCACAAAGGTACTTATAAAATCATGGCCCTGAAGATATTGGCTATGAACGATCCAATGATGCT  
GGTATTGTTCTAGGAAAACCTAGTGGACGGCATGCCCTTAAAAGTCGCCTTCTAGAGCTTGGTTATGAACTTG  
ACAGTGAGAATCTCCACAATGTATTCTGGCGTTTCAAAGCAGTGGCTGAACAAAAGAAGAGAGTTACAGATG  
CGGATCTTCGAGCTTTGGTATCCGATGAAGTTTTCAACCAACTGTTCTTTGGAAGCTCCTAGATTTGCAGGTT  
ACTTGTGGAACCTCTTGGTCTTTCACTGCTACAGTTAACTCCTTGATGCTGATGGGAAAGAGCACATTGCTTG  
TTCTGTTGGAACGGGTCTGTAGATTACGCTTACAAGGCTGTGGATCTAATTGTTAAGGAACCAGCAACCTTC  
TCGAGTATTCAATGAATGCCGTCACTGAAGGTATCGATGCAATTGCCACGACGCGTGTCTAATAAGAGGGG  
ACAAAAGTTACACGTCTACTAATGCATTGACTGGAGAAGCAGTTCAACGAACATTTAGCGGTATTGGAGCAG  
GGATGGACATAGTTGTATCAAGTGTCAAGGCCTACATTGGTGCTCTAAATAAGATGCTTGGTTTTCAAGGGAT  
TGACATTAAGGAGACTAAAGAAAAAACATTATCTGCTTAAAAAACTGATTGATTCTTGAAGGAAGGATGATGG  
TGGCAGTCTTTCATAATTAAGTCTTATTATCTAATTGTGGTTTGTAATTTAGTTGTGTTTTGTGTTATTTGAACTC

TTTCTTTGTTCCTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTAGTCGTTGTTTCCTTAGTCGGTTATTTGTGTT  
GTAGTTTTTACACAGTGAAGTGGCTTTTTTTAGTAAAAATAATGATCATTATTATAATAAAAAGGTTTTATCAGTCA  
TTTTATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_608 NM\_001056399|Oryza sativa Japonica Group Os03g0301400 (Os03g0301400)  
mRNA, complete cds

AGACCACACTGTCTCCCAAGACCACCTCTCCATCTTCTTCCACGCCATTTACTCCCCTTCTTTTTCTCGCTTAACTT  
ACGATATTCCTTTGCTTTCGTTTTTAAATGCACCATATTCCTCCATCAGGTTTTATTTTCAAGGTGAAGAAAATTG  
CTTTCGGAGCAGGATTTTGTGGGTTTTCTGACTAGATTCCTCTTGTTGTGTTGGAAATTTAAATTTAGCAGC  
TCCAATGTGCTTTTCAATCTCCGATTTCCAAAATTTGGAGTCCCTATTTTAGCTAACCTTTGGAGGGAAAACTT  
TCATCCCTTGAACAGAAATCATGGACATAGTTGTTGGGATGATCAACTTTGTTTTAGGATCTATAACCTTGAAG  
GAGGACAGAACAGGAGATGGTCCAGAAAATCTATGACTACCAAAGCGGGGGGAAAGCAAAGACCAACCCT  
AGCAGTAAACCCACCAATATTACGAATGAAATCTTGCAGGAATCGATGTCTGGCAAGCTGTACAGTTAACGTTA  
ATAAGTCTGAGAAAAGTGGAACTCACAAGCTTCAATATTGTGATATTCAACCAACAATTATTAACAGCAAGGA  
ATTCATTCACCCGGTGACAGTTATAACCTTTGACATTGAAACGACAGGTTTTAGTAGAAACCTCGATAGAATAG  
TGGAAATTGCATTTCAAGATCTTTCAGGAGGAGAAAAATAGCACCTTTCAAACACTAATAGATCCGCACTGCTAT  
ATTACAAATTCAAGCATACATGGCATTACAAACAATATGGTCGCTAGATGCGGTGTTCCAAGGATGCAGGAAC  
TTATTCCAATTATATTACAATTTGTCAAAAGCCGTCAGAAACCCGGTGGTTATGTATTATTGGTAGCTCATAAT  
GCTCGTACCTTCGATGTACCCTTTTTACTCCACGAATTCAGCCGTTACTCCATTGATATTCCTCAAGATTGGCTA  
TTTCTCGATACTATGACGTTAGCCCGTCAACTGATGAAGTTATCCGATTCGAAGATTACGAAAATATCATTAGA  
AGCACTTTGTGAGTATTACGGTATAGAACTGGACGGTGAAGCACGTCGAGCATTGCCAGATGTGATATCATTG  
TCTTTGATTCTTCAGAGGCTTACTTTGACCTCAAGCTAGATGTCTCGGATCTCGTTGAAAGAGCTTTCACCTCT  
TTAGATCTGATTAATAAGAAGAAAAAATAGAGTGATGAAGCTATGTTTTGTTGTAATGTTCTTTACTAATTGT  
TGCAACTTTCTATTCTTCTATTTGAATAACTTTGGGTCATTTTATTTACGGTCATCAGATCCTTCTTGATGTCC  
ATATTCTCCAAAACGGGTGAACGAATTGAAATG

>trans\_c\_609 AF165939|Citrus limon vacuolar V-H+ATPase subunit E mRNA, complete cds

TCTCACGTTGCTAACGTTACGCGGGACCCTCTTCTTCCAAATCTCACAATCTCTCTTTCACCTCGTTTTCTTCTTTT  
TTCTCTCATCCTTCTCAATTCTTCTTCGTTTTTGGTCATCTCTCTCCAGATCGGCATCTTAGAGCTAACGATCAC  
ACCAACTCCTCAGTTTCTAGGGCTTGGATCTTCACACTTCGCCAAAATGAATGACGCAGATGTTTCCAAGCAGA  
TCCAGCAGATGGTCAGGTTCTCCGCCAGGAAGCCGAGGAAAAGGCCAACGAGATCTCCGTCTCTGCTGAAG  
AAGAATTCAATATTGAAAAGTTGCAGCTGGTTGAGGCAGAGAAGAAGAAGATCAGGCAAGAGTACGAGAAG  
AAGGAGAAGCAAGTTGAAATCCGGAAGAAGATCGAGTACTCCATGCAGCTCAATGCTTCTCGGATCAAAGTT  
CTGCAAGCTCAGGATGATGTTGTAAACAATATGAAAGAGGCAGCATCAAAGGAGCTTCTCAGTGTAAGCCAA  
AATGAACATGTCTACAAAAATCTTTTGAAGGATCTCATTGTTTCAGAGCTTGCTTCGACTGAAAGAGCCAGCCGT  
TTTATTGCGATGCCGCAAAAGTGACGTCCATTTGGTGGAGTCTGTGCTGGGTTTCAGCAGCTGTTGAATATGCA  
GAGAAAGCAAAAGTTTCATGAGCCAGAGATCATTGTTGACCATGTCCATCTTCCACCCGGTCCAAGTCATCACC  
ATCATCACGGTCCTTCTTGCTCTGGAGGTGTGGTCTTGGCATCTCGAGATGGGAAGATTGTCTGTGAGAACAC  
CCTTGATGCTAGATTGGATGTTGTGTTCCGTAAAAAATTCAGAGATCCGAAAAAGCCTTTTCAGTCAAGTTG  
CTGCATAATGGATTGGATTCGTCTCCATCTTGGTGCCTCTGTGAAATAATTTATGAGTCCAAATTTGGTCTTTG  
ATGCGAATTTTATGTCCAAATGTCACGTATCAATAAGTATTACATTCTTTTTTTTTCTTTATCTGATAGTTACAA  
TGTTCTTGGTTTCGAGCTCTACAGGGAGGTAGGCACCCCTATCGTCTCTATAGAACCTCCGGTATCAATAATATT  
CCAGCTTGATAAATTGGTTTTCTTCTTCAAGTTGGGATGACCTTTTTAGTTAAGTATATTTTTGTGTGCACATCA  
TGCAGACTATTGCCCTTATATAATGTAATTTGACATTTATCTTCTGATGGCAGTTGTTTCAAGTAAAGTTATTTT

ACTTGCATTCAAGTTTTGTACAAGTCTTTCAATAAAATACAATGTGTTGATTCTCCAAGATATGTTTAAGAAATGA  
TTACTTTTCTTAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_610 NM\_001063546|Oryza sativa Japonica Group Os06g0186600 (Os06g0186600)  
mRNA, complete cds

AAGAACAAGATAGAAATTCAATGGTCGGATATTGTCGCCTTGAAGGCGACTTATCCCGAGGATGGTCTCGGC  
ACTTTGGATGTAGTGCTGGCGAGACAGCCCCCTTTCTTTAGGGAAATAAATCCACAGCCTAAGAAACACACTTT  
ATGGCAAGCAACAGCCGACTTTACTGGTGGAGAAGCGAGCAGATATAGAAGGCATTTCTTGCAGTGTTTCGA  
AGGCTTGTTAAACAAGCATTTTGAGAAGCTTGTACGCTGCGATCCTCGTCTCAACTTTCTAAGCCAGCAACCG  
ATATCGTGTGAGAATGTCCATATTTTAAACCAATGGTTCAAACGAATCCAAAGAAGGAATTGATTTGAAGGA  
GGGACCTACTTTCTTTAGTTTAGGTATGGTGTCAACATCGGGAACCTCAATCACCTTCCTCAGTTAAAGAACATG  
AATGTCTTGCTGGTGCTTCTGAAGAATATTCTGAGCAATCTCCATCACCTAATTCAGGGTTGGAAGCTCAAGCG  
ACGGAAGAATTGAGAAACGATGGATGTGAAAGTTCAAGACTGATAAATAAATGGGATCAAGTCATGGTTCCT  
GGGATTCGGCCATCAATGTCTGTTAGTGATTTTGTCAATCATATTGAACACTGCCTATCACAGCAGATGACACC  
CAACGGTTCTATGTTTTCTGAAGAAAACCAACAAAGCAGAGAGGCCCTAGAGGGAATTACACAGTATCTTTTT  
GGAGATTCTCAAAATCCATCCGACTCCGACGAGCAGACCATCATGGCCAGGGTGAATTCCTATGCTGTCTTCT  
GCAAAAGGATTCTTGATGGCTAAGACCTTGCAACCAAAGCTGGTAATAATAGCCTCGATGTCAACACCTAC  
CCCACTACTGCATCAGAATATGAAATTATGAGTCGAGAAGGCTTACCTGCACACGATGGCTTTCAATCGAGCA  
AGCACATAGCAATGTCGAGGAATGATTCCGTTGGTGAGCTGCTGCTTAATCTTCCAAGAATAGCTTCTCTACCT  
CAGTTTTTGTTCACCTTGTTTCGATGATTCTGATGATCGTTCTAGATAACCTTTGTTTTGGTTCATCTTGTTAATAG  
AAAGTCTAGCAAAACACATAAACCAGATCTCTACTGAAAAGAAAAAAGAAATAGAAAAATCTACCCTTGTCGA  
CCCATTACTGTGTAGATGAATAAAAAGTGCCCTCCTTACAAGTCAACTTATTGTAAATATATAGGCAGGGTGCT  
TAATATATGTAGTTCAGTAGCTGTATCAACTAACAGCCAAGCATCTTTCGCTTTGTTTTGATCTTTGTATGAACA  
AGATTTCGATGTTTAAAGGCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_611 NM\_001050435|Oryza sativa Japonica Group Os01g0685800 (Os01g0685800)  
mRNA, complete cds

AAGAGGAGGAAAGATCGGGCCGTTCCGGTGGTGCCGGTGTGCGAAAGACCGTTCTGATTATGGAACCTATTAA  
TAACGTAGCTAAAGCTCATGGTGGGTTTTCTGTGTTTGCTGGTGTGGGGAACGGACTCGTGAAGGCAATGA  
CTTGACAGAGAAATGATTGAAAGTGGTGTCATTAAGCTAGGGGACCAACAGGCCGAAAGCAAATGTGCCCT  
TGTCTATGGTCAAATGAACGAGCCCCGGGTGCTCGTGCTCGTGTTGGTCTTACTGGACTAACTGTGGCTGAG  
CACTTCCGTGACGCTGAAGGGCAAGATGTGCTTCTCTTATTGACAACATCTTTCGTTTTACCCAGGCTAACTC  
AGAAGTGTCTGCTTGGCTTGGTCTGATCCCATCTGCTGTGCGTTACCAACCAACCTTGGCTACGGATCTTGAG  
GCCTTCAAGAGCGTATCACAACCACAAAGAAAGGTTCTATCACTTCAGTTCAAGCTATCTACGTGCCTGCTGAT  
GACTTGACAGATCCTGCTCCTGCTACCACATTTGCTCACTTGGATGCCACAACCTGTGTTGTCAAGACAGATCTC  
TGAGCTTGGTATCTATCCTGCTGTCGATCCATTGGACTCTACATCTCGAATGCTTCTCCTCATATTTGGGAGA  
GGATCACTATAAACTGCTCGTGGGGTACAGAAGGTCCTTCAAATTACAAGAATTTGCAAGATATTATTGCC  
ATTTTGGGTATGGATGAGCTTAGTGAAGATGACAAGTTGACAGTTGCTCGTGCTCGTAAGATCCAAAGGTTCT  
TGAGTCAGCCCTTCATGTTGCAGAAGTGTTCACTGGTGTCCAGGAAAATACGTCGAGTTGAAAGAGAGCAT  
TGCCAGCTTCAGGGGGTGTGGATGGAAAGTACGACGATCTTCTGAACAATCATTCTACATGGTTGGAGGT  
ATTGAAGAAGTGATCGCCAAGGCAGAGAAGATCGCCAAGGAATCTGCTGCTTAGTTTTACTCTTAATTTTTTC  
CTTGATAATTATGAAAATTAATAATTTTAGGTGATATGCTGGGTGATGCCAGCAACAGGCTTTTGAAAATTATT  
TTATTGAGATGTAACGGAACCAGAAATCTTCTGCTTTGTTTTAGTTTCCTTTGCAGAATCTGAAAGAGAGCTTT  
TCACCGTCACCCACCCAGCCTTCGGCTTTTCTCCCTTAATTCATTTCTTCTTGTCTTTCTTTAATAAGGGGA

>trans\_c\_612 XM\_002884608|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata autophagocytosis-associated family protein, mRNA

>trans\_c\_613 EU824050|Populus tremula isolate swl312-64E thioredoxin-related protein gene, partial cds

TAGCCCAAAGCCTGGGTTAACCCATCCGCTCTGTCTTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCCGTTTGTTTCAGTTCAAGAAAAGGGGAAATTGGGTTGATCCACTTTTCTCTTCGTCCTTAAAGGGGATAAGTTCGGGTGTTATTCGCTTATATATTTTAGTAAAGAGCAGGATAAGAGAGGATGTCAGCTGGTCGGAACACCCATTGGTGTTATAGATGCAAGAGGTCGGTACGTCTCTGTGGTAGAGATGCAGTTTGCCCAACTGCAATGGAGGATTTATCCAAGAACTTGATGATATGGTGCCTGGAAATCCATTTGATTTCTTTGGTCTAGATCATGATGAAGATCGCGATCATGGTCTGGGTGCATTCTCTGCTTTTATGAGACAACGTTTAGCCGAAAGAAATGACATGAGGGGAAGATCAGAGTCGCTTTTGTAGCATAGCCCGGATTTGGTCCTTTATTAATATTTGGTGGTCAAATACCGTTGAGAAACAGCAGGTTAGAAGCTCTTTCAATGGGGCTCCTGGCATTGGTATTACACGAGGCGATAGTGGTGACTATTTCATAGGCCCTGGACTGGAGGCTATTCTGAACGGCTTTTCAAGCAATGGTCATCGAGGGCCCTCCACCAGCATCTAGATCATCAATCGACGCAATGCCACAGTTAAGATCACACATCGACATCTTCGCTCAGATTTCGATTGTCCAGTCTGTAAAGAGAAATTTGAACTGGGGTCTGAAGCAAGGCAGATGGCCTGTAATCACATGTACCACTCAGATTGTATTGTTCCATGGCTAATCCAGCACAAATCTTGCCCCGTCTGCCGCCAGAACTGCCGTCACAGGGAATAGGAGGCGGGGGTGGGGGACATAGCACCAACGATCAAAACCGAAGCAACAGCTATAGCAACGGGAGTGGCTCCCGGTCAATCCAGGTAGACGGAATCCATTCTCTTATCTGTGGCATTTCGGTCATCTAGTTCCTCACTCAACCATGGTGGAGCAGGGAGCAGTGAACCGTCGAACCACCAAATGGGGTATTTCGGGATATCGATACCTAATTCACCATGAATTGAAGTTTGGAGATGTTTGTGTGTAGTACAAAGGGTTGAAGATAAGCTTTGTTTGAAGAAGATACACAGGCTGTTGTATTTTTGTGCAATTTTCTATGTAAATGACCTTATAATTAAGTTGAGTTGCTTATTGCTTCTGCTGATGTTTTCTTCATCTTC

CATGTCAAAAAGATGACACATCAATTATTAGTATAAAATGGGAAAAATATTTTACTGCCAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_614 NM\_111071|Arabidopsis thaliana KUP3 (K<sup>+</sup> UPTAKE TRANSPORTER 3); potassium  
ion transmembrane transporter (KUP3) mRNA, complete cds

AAGTACAACCTTTGATCTACACAATAAGGTTTCACTGAAGTGGTTGCTTGGACTAGGCTCTAGCCTTGGTATAGT  
TCGTGTCCCTGGGATTGGTCTCATATACTCAGAATTGGCGACAGGAGTACCTGCGATATTTTCTCACTTCGTGA  
CAAATCTCCCTGCATTTACACAAGGTTTTAGTCTTTGTTTGTGTAAAGTCTGTTCTGTTCCATATGTCTCCTCCGA  
AGAACGTTTCCTCATTGGGAGAGTTTGTCTAGACCATATCGGATGTATCGGTGCATAGTGAGGTATGGCTAC  
AAGGATATTGAGAAGGATGATGGGGACTTTGAGAACCAACTGATACTAAACATTGCAGAATTTATTCAAATGG  
AGGCAGAGGAACCAATTCTCAAGCTCCGAAAGTTCTTCAGTTGATGGGAGGATGGCAGTAATAAGCACTC  
GGAATATACAATCAAGCTTAATAGTGTGAGGGCATGAAGAAATTGGTACCAGCAACTCCATCTACAGCAGCAA  
ATCCGCCACACTCCAAAGTTACGATCTGTTTACGAGGAGGAGAATCCACAATAAGAAGGCGCCAAGTGAG  
GTTTCAGCTATCTCCAGCCCTTCAATGGACCCAAGAGTTAAGGAAGAGTTAATAGACTTGATCCAAGCCAAA  
GAAGCTGGTGTAGCATATATAATGGGACACTCATATGTGAAGGCCAGACGATCTTCGTCGTATTTGAAAAAGC  
TTGTGATAGATATCGGGTACTCGTTCCTCCGAAAGAACTGCAGAGGCCCGTCTGTTGCACTCAATATCCCTCAC  
ATCAGTCTAATTGAAGTGGGCATGATATATTATGTTTAGTACGTGAAGAAGAACAATACATATATTCTGATTGT  
TCCGAGTAGAGATGCCGTGGCATCTGTAGGTTGTTGGCAGCAGAGGGTAGTAGAGGAAGAACCAACAGCAT  
GATATTGAGATGTGTGGTAGCATCATCCTGAGATTGGCTGTAGATAAGATTCAAGACTCAATATTACCTTTATG  
TGATAAGTTGGTTAAGATTTGGATAATGCTTTTTCCAAAATGAAGAGTGGATATGATGTTTGTGGGAGCAGAC  
GTCATTGTGAGTTGTTTTAGAAATAGGAAAAGGCTTAAACTCAACACCTGAAATGGGTTCTTGGAACAGGAA  
AGGTTTGTAGTTGGACGCTTTTTTATTTATTATTATTATCTTTTACATCTTCTGTAAGCAATTAGTCGGACAAA  
GTATAAAATAAACCAACCGTTTCGTAGTTCANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_615 NM\_001070961|Oryza sativa Japonica Group Os10g0358600 (Os10g0358600)  
mRNA, partial cds

ACATAAAGCACACATTTTCTCTCTCTACTCTATCTCTCTCTCTCTTACTCTGCTTTGTGTTTGTGTCAACGA  
AAATTCCCAAATTTCTCTGCGATTTCCCTGTCTTTTGCCGCTGAAATCCCAAAAACATGCTCTCACCTGCATGA  
TCTTTCTGTATCCTCTAATTTCCCCCTCTCTTTCTATTGCCTTTTGCTCCAATTCATCGCCGACGGATTTGGGAA  
TGCTTGAAGCTGTGGAGAGCTCCGTCAATGGCGCCTTCTCCACCTCCACAGTAGTGGTGACAGTAGTGAGGA  
GGAGCTTTCTGTTCTCCCTCGTCATACCAAAGTCGTTGTACCCGGAACAATCGTACCAAATCGGTGCTCGTTG  
GACTTCAAGGCGTTGTTAAGAAGGCTGTTGGTTTGGGTGGATGGCATTGGCTGGTTCTCACGAATGGCATTG  
AAGTTAAGCTACAGAGAAACGCCCTCAGTGTAATTGAAGCACCACCGGCAATGAGGATGATGATGATCTCG  
AATTTGAGAACTTACACTGGAATGGATCCGATATGGCATCTGACGACACTCTAAAGTCCCATAGACCGAGACA  
AAGGGCACACAAATTGTGCGGATCATCCCTCAAAACAATCAGCCGATCGTTCTCATATGAATCACAGTCGAAG  
GGATCTATTTCCACCCCCGTGGGTCCATGAAAGTCGACCTCGGTAACTTGAGATGTCTGCCTTGTTGGAGAT  
ATTGGCGACACTTCAATCTTGTGGATGCTTTTCTAACCCATCAAAAGAGCAGTTGGTGGATGTTGTTCAAAGG  
CATTTATGTCCCAGCAACTAGACGAGTTACAGGTGATTGTTGGGTTTGCCACGCTGCAAAGAGACTCAAGA  
CTGTCTGCAAATGACGAGTAAAGGATGTAACACCAAGTTCAATATTCATCCATTTCTAACAAAAAGAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAACACCGGTACCACCCGAAATCCCCTTCTTCCCCACTACATATATTAATGT  
TCCCTGTAATATAGGTATCGTGGCTTGTATTGAGGTATTATTACCCTTTTGTTAGTGTAATTATGGTAGGTAAG  
TATAGTATATAATTTATATAATGTACGCACGACTGGCTAATAGACCTACGAAAAGTACGAGAGAGTCTTACTG  
ACTTCATTTTCTAAACCTCGATCGAATGCTGACTTGGGAGAGTGGGTATCTTGAAATGAATGTGTATATTCTT

TGAATGCTTTTTTTTTTATGTTATTAGTTTGTCTGGATACAACATTAAATTTGTTTAAATCTCAAATGTGGAGTAT  
GTTGATTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_616 NM\_129392|Arabidopsis thaliana PRA1.B4 (PRENYLATED RAB ACCEPTOR 1.B4)  
(PRA1.B4) mRNA, complete cds

ACTCATTTACACCATAACCATTCTTCCTTCAAATCTCCCTTTCTCTCACCTCCTATTTCTTTCCATCAAGATCAAC  
CGACTATGTCTTCTCCTCTCCGGCCATACTTCCCATCTCCAATCCTCAATCCACCGTCGTCCCCGCCCCACATC  
TGGTGGTTCTGTTCAATCTCAAGGCCCTGTACCACCCCCGCCTTTCGCGCTTTCATTAACCACCTATCCGAATA  
TCTCCGTCACGGTCTCTCCAGCGTAGACCATGGGCTGAACCTGCAGATCGGACGGCATTCTTAAGCCTGAAT  
CCTTCTCCGAAGCCACCTTCGAATTCGCAAGAATTACTCTATTTTCGCGTCAATTATCTCGCTGTGGTCGCTC  
TGATCCTCGGCTTTTCCCTCGTTTCTCATCCGTTTCTCTCATCCTTCTGGCCGGTCTTTTATCCTCGTGGCTATTT  
CTCTACCTCTTCCGTCCGTGAGATCAGCCCCCTGTTCTATTTGGTCGCACATTCAAGGATAGCGAAACCCTAATT  
CTCCTGGTTGTTTTAGCGTTTTCTGCATATTCCTCACGAGCGTTGGATCGGTCCTCGTTTCGGCTCTTATGGTC  
GGTGATGCTTTGGTTGTGCCACGGCGCGTTTAGGGTCTGAAGATCTTCTCTAGATGAACAAGAAAATG  
TATCCACCGGTTTCTCTCGTTCTTCAGCAGCGCAGCTTCCACCGCTGCCGCCGCCGCCGCGCCTGTGGCTGCT  
CGCACGTGATTTGAGTAGATGAGGGTATGGAATCGCCTTCGCTCTGGTATCAGTAAAGGCATTAAATATTGAG  
AATTGGCGTAGACGAAATAAAGTTTTTTTTTCTTCTTTTGTCGAAATTTTCATATCAACTATCCGTTCTTTTAC  
CGTAAGATAGAGCATTATACTACATAACAATGTCTATGGATTCAATTCTTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTTATCAAAACCCCCAACCCCGGGG  
GGGGGCCCCGACCCCAATTCCCCCTAAAGGGAGCCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACCCC  
GGGACGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTAAACCCCCTTGAAAAACACCCCCCTTCCCCAGGGGGGGGAA  
AAACCAAAAAGCCCCCCCCGAACCCCCCTTCCCAACATTTGCCACCCCTAAAGGCCAAAGGGAACCCCCCGG  
AACCGGCCCATTAAGCGGGGGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_617 EF137253|Nicotiana benthamiana Impa1 mRNA, complete cds

CTGCAGGGGCAAGCCACAACCTGCTTTTGATCTGGTCAAACCAGCACTTCCAGCTCTTGCTCGTCTTATACATT  
CAAATGATGAAGAAGTTTTGACTGATGCTTGCTGGGCACTTTCATACCTTTCTGATGGTACAAACGACAAAATT  
CAAGCTGTTATTGAGGCAGGTGTTTGCCCTCGTCTCGTCGAGCTCTTAATGCATCCTGCTCCTTCTGTGCTTATT  
CCTGCCCTTCGAAGTGTGGAAACATTGTTACTGGTGATGATTTGCAAACCTCAGGTTATTATCCAACATAATGC  
CCTACCTTGCCTGCTAAATTTATTGACTAATAATCATAAGAAGAGCATCAAGAAAGAAGCTTGCTGGACTATAT  
CTAATATAACGGCTGGGAACAAGGCGCGAATTCAGGCTGTTATAGATGCCAATATAGTTGCTCCCTTGTTCA  
TCTGCTCCAAATGCCGAATTTGATATTAAGAAAGAGGCTGCATGGGCAATCTCAAATGCCACATCTGGAGGC  
TCTCATGATCAGATAAAGTACCTAGTAAATCAAGGGTGTATCAAACCTCTGTGCGATCTTCAATTTGCCCTGA  
TCCTAGGATTGTCACGTTTGTGTTAGAAGGGCTCGAAAATATCTTGAAGGTAGGAGAAGCTGAAAAGAACAC  
AACTGATACAGGAGGAGTTAATCTTTATGCTCAATTGATTGATGCTGAGGGGCTAGAGAAAATTGAGAA  
TCTACAGAGTCATGACAACACTGAAATTTATGAGAAGGCAGTGAAGATCCTCGAGACTTACTGGTTGGAAGA  
GGAAGACGAGACTATGCCACCGGGTACTGCTCCCAAGGAGGATTCAATTTTGGTGGCGATCGACCTGTCGT  
ACCATCCGGGGGATTCACTTTGGCTGAGAAGGCTTCTCCGAGGCTATTTGACCACATCTCCAGTCACATCG  
AGTCAGGTCAGGCGTGTATGTCGTTGTTGCCTTTGCTTATCCCAGTCTCAGTTATATTTAGCGTGTGGTTG  
ACTGGGTTGAATGCTTTTACATGAGTTTGGGATTGACTGGTGATGAGACAGTGGAATATATATACTATGT  
CAATTGGTAATATAGTTTCCACAGATCTGAGAAATCAGAGCGATTTGTTTGGGCAAACTGTGATTTTTTATTG  
TTTTTCTTAGTTGGTCTACTTGTGAGAAACATGGAGTCTAAGCATTGCTTGTTCCCTCCCTTTTACGTCATTAG

CTTCTATATTTTTTTGTTTCATAGTTTTTCCATAGAGCAACTTTTAGATTTATAGCAGATACCATTTTGGCTAGC  
TGGCTTCTATATGTTGTTACTTTTAAAACACACATGC

>trans\_c\_618 GQ221687|Citrus sinensis UDP-glucosyltransferase family 1 protein (UGT2) gene,  
complete cds

AACACCACCTTGTGCGTCTATTGAGCTGCCTCTCCCATGGATTCTCACACCCATGGAACACCTCATTTTCTTCTC  
TTCCCTTTTCATGGCACAAGGCCATATGATCCCATGATTGACCTCGCCAAGCTTCTAGCTTGCCGTGGAGCCAT  
TATCACTATCGTCACCACTCCTCTCAACTCTGCTCGCTTCCACTCTGTTCTCACTCGCGCCATTGATTCCGGCCAT  
CAAATCCATGTCCATGAACTTCAATTCCCAAGCCACCAAGAAACCGGCCTCCAGAAAGTTGCGAGAATGTGC  
ACTTGCTACCTTCACTTGCTTCTTATCCCAATTCTACCAAGCTATCAGTCTCCTTACCAACCATCGGAAAAGTT  
GTTCGAACAACTCACCCCTCGTCCCAATTGCATCATCTCCGACATGTGTATCCCTTGACTTTGAAATTTCTCA  
GAAATTCACGTCCCCAGACTCGTTTTCTACAGTTTAAGCTGCTTCTTCTTCTACATGCGGAGTTTAACCAC  
TAACTTTGAATTTCTGAAATCTATGCCTGATTCCGAATTTCTGACTTTACCAGGCTTGCCTTCTCACGTAAAGTTT  
CGCAGGTCAAAGATCTTTACATCCACCGATGATTACTTGATCCAATTTAGTTTAAGAATGTGGGAGGCTGATC  
GACAATCGTACGGCGTAATTGTAAATGTGTTTGAAGAAATGGAGCCAGAGCATGTAACGGAGTATATAAAAG  
GAAGAGAATCCCCTGAAAAAGTATGGTGCCTTGGTCTCTTCACTTTCCAACGACAACGAACCTCGACAAAGC  
CGAAAGAGGCAACAAAGCCATAATCGACGGCCACGAATGCATCAAATGGATGGACGAACAGAAACCATCGTC  
CGTGGTTTATGTGTCATTAGGAAGTCTATGTAATCGAAGAGCTACTGAAATGGATGGATGAATATGAATTCGA  
GGAGAAAACAAAAGGGCGTGGGTAGTGATACGTGGATGGGCACCCCAAGTTCTGATACTTTGCACTCTGC  
AATTGGGTGCTTCTTGACACATTGTGGATGGAATTCAGCGTTGAAGGGATATCCGCAGGGGTGCCGATGAT  
CACATGGCCGTTGTTTGCAGATCAATTGTACAATCATAAGTTCATCGTGGAGATATTGAAGGTGGGTGTGAGT  
GTCGGAGAGGAAACAGAGGGAGACTTGGGAGGTGTGGGAAAGGTAGTGGTGAAGAGGGAGAAAGTGAAG  
GAAGCCATTGAAATGGTGTATGGATGGAGATGATAGTGAAGAAATGAGAAAGAGATGTAAAGAGTATAGTGA  
GAAGGCGAAGAAGGCGGTGGAAGAAGGAGGTTCTGCTCATCGG

>trans\_c\_619 AB333874|Glycine max mRNA for peroxisomal glycolate oxidase, complete cds

AACGCCCACCTTCAAAATCCAATCCAAATAATGTGGTCTCTCTCTCTTTTCCCCATTTTGATCCCACCCCTTTTG  
TCTTTTCTTCAATCCGATCACGGTCTTCTCTATCGCCCTTTGCTATATTTGTTGTTTGTGTTTGCATTCCAAAT  
TTCGAGAGCTCAATCTCTCTCTCTCTTTTCGATCCTCTTTCCATCTTCTATTTGTTATCTTTAATCCCTTTTCATTA  
TTTCCCTTCATTCATTTTCATTTCCACAGATAAGGTTTTAAGTAGTTTGCTGAAAAGATGGAGATTACTAATGTC  
ACCGAGTATGAGGCTATTGCAAAGGAGAAGTTGCCAAAGATGGTTTATGACTACTATGCATCTGGTGCAGAG  
GACCACTGGACCCTGAAGGAGAATCGAAATGCATTTTCAGGATTTTGTCCGTCCCCGCATTCTTATTGATGT  
GAGTAAGATCGACATGTCAACAACCTGTGTTGGGATTCAAATTTCAATGCCCATTTATGATTGCTCCCACTGCCA  
TGCAAAAGATGGCTCACCTGAAGGGGAGTATGCAACAGCCAGAGCAGCGTCTGCAGCAGGCACAATTATGA  
CTCTTCTCATGGGCTACTTCCAGTGTTGAAGAAGTTGCTTCCACTGGACCTGGCATTCTGATTCTTCCAGCTAT  
ATGTGTACAAGGATAGGAATGTTGTGGCACAACCTGTGAGAAGAGCTGAAAAGGCTGGTTTTCAAAGCCATTG  
CTCTGACTGTGGCACTCCAAGGCTTGGTCGCAGGGAAGCTGATATCAAGAACAGATTACTTTGCCACCATT  
TTTGACATTGAAGAACTTTGAGGGATTGGATCTTGGTAAATGGACAAGGCAGATGACTCTGGACTGGCCTCA  
TATGTTGCGGGGCAGATTGACCGTACTCTCAGTTGGCAGGATGTGAAGTGGCTGCAGACCATACCAAGTTG  
CCAATCTTGTGAAGGGTGTGCTTACTGCTGAGGACACAAGGATTGCCATTCAAAGTGGAGCTGCTGGAATAA  
TTGTTTGAATCATGGAGCTCGCCAACCTGACTATGTTCTGCAACCATTGTGGCTTTGGAAGAGGTTGTTAA  
GCTGCTAGAGGCGAAGTTCCTGTTTTCTGGACGGCGGTGTTGACGTGGAACAGATGTTTTCAAAGCATTGG  
CACTTGAGCATCTGGCATATTTATTGGAAGGCCAGTGGTGTCTCTTTGGCAGCAGAGGGTGAGGCCGGTG



TGAGGAAAGTGCTTCAGATGTTGCGTGACGAGTTCGAGCTGACCATGGCATTTACACGCTGCCGCTCACTTCA  
GGAGATCACCCGCAGCCACATCCTGGCTGACTGGG

>trans\_c\_620 NM\_117739|Arabidopsis thaliana ferredoxin hydrogenase (AT4G16440) mRNA,  
complete cds

CAGTGAAGAGTCCTCAGCAAATGATTGGATCAATGGTCAAACATCATATTTGCCAAAAGTTGGGTATTAGGTC  
AGATGATGTTTACCATGTTACTGTGATGCCCTGTTATGATAAGAACTGGAGGCAGCCAGGGAGGATTTTGTT  
TTTCAGTTGGACTCAGCCAACAAAAGTCCGGAGGATGAGGCCACAGAATTACAGAAGTAGATTCAGTATTG  
ACATCTGGTGAAAGTTCTAGAATTGATACAGATGAAAGAGGTGGATTTTAAGAGCTTAGAAGAATCCCCCTTGG  
ATAGAATGCTGACTAATGTTAATGAAGAAGGGCATCTTTTTGGAGTTAGTGGAAGTTCTGGTGGTTATGCAGA  
AACAATCTTCAGGCATGCTGCAAAGATACTCTTTGGCAAAGATATTGAAGGCTCTTTGGAATTCAAACCTATTA  
GAAATTCAGATTTCCAGGAGCTCACGCTTGAGGTGGAAGGGAAGACTTTGTTGAAGTTGCACTATGTTATGG  
ATTCCGAAATCTACAAAATGTTGTCAGAAAAATAAAAACAGGAAAATGTGACTACCATTTTCTGGAGATTATG  
GCTTGCCCTTCAGGTTGTCTAAATGGAGGGGGTCAAATTAACCCAAGCCTGGACAATCTCCAAAGGACTTGA  
TTGAGTTATTAGAAGCTGCATATCAGGAAAACGTTTTAGTGAGGGATCCGTTTAATAATCCGGTGGCGAAAGA  
AATATACAAGGAGTGGCTGGAGCAACGAGGTTCAGAGAAGGCAAAGAAGCATATGCACACCGAATACCACC  
CAGTGGTAAAAAGCATTACTGCTCAACTCCACAACCTGGTAACAACATACCACTCTTAACCATAGAATTTGTAG  
CCCAAAGCTGAATACTAGATGAATTATAACCGAGTTTTGGAGAGATTTATGCCTCATGCTTTGCTGTGAATGT  
GATAGTCACCGTGGTTCACCTCTGGAAAGAGAAGGCCCAATTTTGATAGGATTTAACTTGAAAATGTAAT  
TCTTGTTTCATCCACCTCACCTAAATTGGCCTCTTCAGGTCTTCATCCTGTACATGATCTGTATTTATGTTGTAAGA  
TAGAAGAAGAAAAAGGAAATAGTTTGATTTTCTTGTTAAATTTTTATGATGAGTGTTATTCTGGGTATTTATT  
ATTGTTTTGTTTTCTTCTTTCTGAATAAACATACTCTCTGTTGATGAAGATTCAGCCGTTTAAATATATTGTTGG  
GCGAATGCTCTATTTCTTTGTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_621 XM\_002871134|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATHMOV34, mRNA

AAAGAAAAAGGGCTTAATAAGCAGCTGCTCCATTTCTAAGTGGGTTTAGCCTTTAGCACGGAAGCGCCAATTC  
GATTCAACTCTGATATACTGCAAAAATCCGCCATGGATGTGATCAAGACGCAGCAAATTCATCGAGGCCAG  
TTGAGAAGGTTGTAGTTCACCTCTGGTTTTACTCAGCATCGTCGATAACTACAACCGAGTCGCTAAGGAATCC  
CGCAAACGAGTTGTCGGAGTTTTACTCGGTAGCTCTTCAAGGGTACCGTTGATGTCAGCAATAGCTATGCAG  
TCCCCTTTGAAGAAGACGAGAAAGATCCAAGCATATGGTTTCTTGACCACAACTATCATGAATCGATGTTTTCA  
ATGTTTAAGAGGATAAATGCCAAGGAGCACATAGTAGGTTGGTATAGCACAGGTCCAAAGCTACGAGAGAAT  
GACCTGGATATTCACCAGTTGTTCCACAATTACGTACCAAATCCTGTGCTTGTGATTATTGATGTACAACCAAA  
GGAGCTGGGAATACCTACTAAAGCTTACTATGATGTTGAAGAAGTCAAAGAGAATGCTACCCAAAAGAGCCA  
GAAGATCTTTGTTTCATGTTCTTTCAGTCATTGCTGCCCACGAGGTTGAGGAAATTGGTGTGGAACACTTACTAA  
GGGATGTCAAGGATACCACCATTAGTACACTTGCCAATGAGGTTACTGGAAAACCTTACTGCTTTAAAGGTTT  
GGATGCACGACTACGTGAGATTCGTGGCTACCTTGATCTTGTTATTGATGAGAAGCTTCCATTAAATCACGAA  
ATTCTTTACCATTTACAGGATGTATTCAACCTTCTCCAAATCTAAATGTGGCAGAGTTGATAAAATCATTCGCA  
GTAAAAACCAATGATATGATGCTGGTTATTTATCTTCTCACTCATCCGGAGCGTCATCGCACTTCATAATTTA  
ATCAATAACAAGATGCTAAACAAAGAACATGAAAAAGCCGAGGATGCAAAACCAGCAATCGGCCCCATAACG  
TCTGAAACTAACATGCAACTACCATCCATCAGCCCTTGAAAGATCTTAGTTGAAGGAAGTATTATCTGTTT  
GTCGAGTTCTTGATTGATGATGATATTTTTGTTTTATCCTATTGGAAGAGATGGCTAGTTTCCAGCATGTATTT  
CCCTGACCATTTTTTGTTCATGTTATTAATTTGTACACCTCACTTTATTTCCCAAATATATCATGATGTAGAC

CAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_622 XM\_002866259|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AATGCTTCTTTAATTCGATGGAACAAAGAATGTTTCTCCTTAGTCTTGATGGGTTTGAAGAAATCCAGCTTTT  
GGGGCCATCAAATTAATTGTACTCTTTTGTTCGAGAACCCAATTCAGTTTAGTCCTCCTCCTGCGCAAGTG  
GGGGAGAAAATCAAGAACGTTTGTGTTGCAAGATCTTTGAGAGGTTCCATCTCGGGATTGCAGGAATCGG  
GTGGAAAAAATGGACGAAGAGGCTAATTCTTGGCTTAGGAGAACGAAGTTTTCTCACACGGTTTATCATCGA  
TGGGACTCATTAAGATTAACCCAGTTCGGTTCATCGTCGAACCACCTCGCAATTCTGGCTTGAATCGAGGCC  
TTCATCAGCTTCATCTGCCAGAAGCCGAATCCTGATATTCGAAGATTCAGCGAAGTTTCATATCCAATAAAC  
AGAGGTCTCTGTCTCCTCTCCCTGAGAGCAACCTCTCTGAAGTTTTCAAGGAAGCAAAATCCGAGAGTAAGAG  
ATTCTCAACTCCAATCCTCGACTTAGAGGACGAACCTAAGGAATTCAGAACAAGCTATTCAATAAGGACCCTC  
AAGATTCAAAATCAGCCAATCCAAGCCATCGTTGAATACCAGTCCCTTGAAGCAACTATCTTCAGGGAAAGG  
GGGTGATAAGTCAAAGTTGAAGGACTCTTCTGGACTAAATATTCGATTCTGGAAAAGTCACCGCGGTTGAA  
TCAGCGGATGACTGGACTGTTGATCTCTCAAGTTGTTTGTGGATTAAGGTTTGCTCATGGAGCTCATAGTCG  
ACTTTATCATGGAAAATACAACGACGAACCTGTTGCTGTTAAAATTATTAGAGTGCCTGATGATGACGAAAAC  
GGAACGCTTGCCTCTCGATTGGAGAAGCAATTCACCAGAGAAGTTACCCTTCTATCGCGTCTCCATCATCCAA  
TGTTATAAAGTTTGTGCTGCTGTAGGAACCCACCTGTATACTGTGTCTTACTGAATATTTGTCTCAAGGATC  
ATTAAGGGCATACTTACAAACTCGAGCACCAATCCCTCCCTTGCAAAAATAATTAAATCTGCTTTAGATG  
TCGCTCGTGGCATGGAATACCTTCACTACAAGGTGTAATTCATCGGGATCTTAAGCCTGAGAATGTTCTTATT  
GATGAAGACATGCACTTGAAAATTGCAGATTTTGGTATAGCTTGTCTGAGGCCTTTTTTGACCCATTAGCTGA  
TGATCCCGAACCTACCGATGGATGGCACCGGAGATGATCAAACACAAACCTTGTAGTCGAAAGGTCGATGT  
GTACAGCTTTGGGCCTATGTTGTGGGAAATGGTATTCT

>trans\_c\_623 AJ867480|Zinnia elegans rh2.1 gene for RING-finger domain protein

ATCATGGGAAAATGTATCTGAACATCCTATGTTTCTCCAGCAAATGAGCTGAGGGGTTTGGTTCGCAGTCCA  
TCGAGTAGAGCTTTAGCATCTTCGAACCTTGCCATTCTGGAAATGTTGCTTCTACATCCAGGGTTGGTTCAAG  
TTCAGGGGTACATCCCTCTTCTGGACCTTGATTCTCCTGAGAGTTCTCCTACACAGTTCCCCAGGAGGTTAA  
CAGAATATGTTTCGTAGGCAGTTATTTGCTTCTGCTACAAACGAGTCAGGAGGAAGGACAAGTAATTATTCACA  
GCGTTCAGGTTCTACTTCTGCCAGGAGATGGTCCTTTCATCTGGATCTGGCCGCCGAGGGCACCATTATTCG  
AACCGAGGTCTGCATTATGGATGGAGAGAAGAGGTGACGGAGGACTTGGTCTTCCCTATTCATTACGAACCTT  
GGCTTCTTCTGCTGAAGGAAGTGACAATAATAGACTTGTGTCTGAGCACCTTCGTAATGTCTTGGGCCTTGTT  
GCAGGGGTGAAAGCTTACGAGTTGAGGATGTGATGATCCTGGACCAATCACTATTTTTTGAATGGCTGATAT  
TTATGATAGGCACAGGGACATGCGTCTAGACGTTGATAACATGTCGTATGAGGAATTGTTGGCATTGGAAGA  
GCGTATTGGGAATGTCAATACAGGACTAAACGAAGAGACGATAGTTGCTCGACTGAAACAAAAGAAGCATGT  
GAATGCTGTTGAGTCACAGGTGGAAGAAGAACCATGCTGTGTTTGTGAGGAGGAATACGTTGAAGGAGAAG  
ACATTGGAACGCTGGAATGCGGGCATGACTTTCACACAGCTTGTTAAGCAGTGGCTGATGCAGAAGAATCT  
GTGTCCCATATGCAAAACAACTGGTTTAGCAAGCCGAGAATGAGGCTTGGTGTGGTGGTTGCTGTTGCTGCAT  
AAAAACAAGGAGTTCAAAGCAAAGCAACTATGACGGATGGGATCAAGGGATGAAATGCTATGATGTTGCTT  
GCCAATTATCTACCTCTGGAGAACCACATTCAATTTTCTCTATATACAAGTAGTAAATTTTTATATAATGCAAG  
CAATCATTTTTTTAAAAAATAAATTTGTTTTGGAAGGAAGAAAAAGAAGAAAAAGGAAGAAGAAG  
AAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAAATTCAAGGGTTGTAATTGGCAAGGAATTGCTAGCTTTAAGGTTATG  
ATGATGATGGTCGATCAAATAATTAATGTTTACTCCATTGACATTAGAGATTGTTGGTCTTAATATATCATCG  
GATTTTCCGTANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

[illegible]

TCGATCGCTTCTCCACATCCACCCTCTTCTCTTCGCTTCCCTTCTCAACTCTCTCATCTTCCCTTCTCTTTGTTCTAATTTTGTCTTCTTCTTCTCTCTCTGCTGAAGCTCTGAGCCCCAGAGTGCTTCTTCTGGAAGTGTGAAGATCTTAAAGAAAAATGAAAAATGGGATTGTGAACCTGTCACTGGCATGCAGGACTATATTAGCATTTTTCCAAGAACTTGAGTTAGACTCTCCAAGAAGCATGGAAAATGGGGAAGGTGGACGACTGATAGCCCCACAGGAGGCTTGCACCCGCATTGCTGATGTGGTACAGGAGGCTATAAGAAAAATGGAAATAGTGGCTGAGGAGAAGAAGAGGAGATACAAAAAAGCACGAATGGACATTGAGGCATTTGAGCGTGAGGTCTGAGGACAAGGCCAGGGAAGCAGCAGAATTAAGCTAGAGAAACAGAGAAAGAAGCTACAAATTGAAGAGCTGGAGAAAAATTGTGAGGCTTAAACTTGACAGAAAGCTGACATGTTCCAACCTAAAGCAAACGAGGCAAACGAGAGGCGAAAGGCTCCAGATGATTGCTTTAGCCAAATCCGAAAAATCTGAAGAAGATTATGCTAGTAGTTACCTGAAACAACGATTGAAGGAGGCCGAGGCAGAGAAACAGTTTTTGTAGAGAAGATTAAGCTGCAAGAAAGTTTTCGTTCACAGGGCAGTGCGGGAGCAGATCAGTCCTAGATCCTTATTCCTCACACATTTCAAATGTCGTTTTGTGTATCGACCTGTATTGTACCATGTACCAACTAAAATGATGGTCACCTTTGAGGAAATATACTTGAAGAATATACGACGTATTAGGAAGAAGCCATAAAGCTGACTGGAATTTACTATATATGTGTTTTGGGGGACTGTAATGTTTTCTATTTTTTATCTGTAGATCATTGTTAGCTATCAACAAAGTCCTAACCTGTCAAGGCATTTGAAACTGTCTGGGTTTCATTTCAATTTATGTAAGATGATGATACTAATTTGTGTTGCTCCAACAATATTGTGGTTTGATGAACTGGTTTGTTGTTTCTGCAGCAGTGAGCGCTGAGATTGTGTAGGGTAATGCTGGCAGAAAAGAGAAACAAAAAGTGATGTTAAAGAGATCAGACCCA

>trans\_c\_626 U37247|Arabidopsis thaliana SecY homolog mRNA, nuclear gene encoding chloroplast protein, complete cds

ATCACATAACGTTAGCCTTTCAGAACTGAAACCGAAACCGAGGTGGGAGTAAATAATGTTGATAACATTTCAG  
AGAAGCTGCTGCAGCTTCTTCTTCTCGCCCCCTTGCTTCACTCTCTCCACTCAATCTCTTACCAATTCTAAGCGC  
TTTCCAAGACCTAGAATTTCACTCGCCCGTGCTTCTTCTGTTCCGGGCAAGCCCAGTTCATCAAATCCTGG  
AACCTTGGCCTCATTTCCAACAGTTCTGAGAGCTCAGTTTTTGTATCCCTTGGGCATCCGTCCTGATCTTCTTCC  
GAATTAAGTAGTACATGGGAAAGTTTTCTTGTTATTTTGGCCAAACATTTAACAGTGCTTCAAGCACAAAAAA  
AGATAAATCTCCATCAGCTCGTGGATTAGCAGCTGCAATCGAGGACAGTTCATTGACATAGGAGATTTCTTC  
AAAGGTCCGTTGCCTGGAAAATTTCTACAGCTCTTGGGCTATTTAGCCCTTCAAGGCTTGAATCTATATCCC  
TCTTGGTGGAGTGAACCGAGAGGCTTTTGTGCGGAACTTGGATCAGAACAGCTTATTGAGCACTTTAGATTCA  
TTTTCTGGAGGAGGCATTGGTAGGCTGGGGATATGCTCCCTAGGCATTGTTCCCTTATCAATGCACAAATTGT  
CTTCAGCTTCTTGCTCAAATTTATCCAAAATTGCAAGACCTTCAGAAAAGAGAAGGCGGAGCTGGGCGAAAAG  
AAAATTCTGCAATATACTCGATATGCCTCAGTTGGATTGCAATCGTACAAGCAATTGGCCAAGTTCTATACCT  
TCGCCCTATGTTAATGATTTTAGTACAGAATGGGTGCTCTTCTGTTACTTTATTGACACTTGGCTCAGTCAT  
AACAACGTACATAGGGGAACGGATCACAGACCTAAAGCTAGGAAATGGGACATCTCTTTAATATTCACCAGC  
ATCATCTCCTATTTACCGGCATCCTTGGGAAGGACCACTGCACAGGCATTCCAGGATGGTAATTATGTTGGATT  
GGTTGCTATCATGATCTCGTTCTTTCTATTGGTACTTGAATTGTATATGTTGAGGAAGCAGAAAGAAAAATCC  
CCCTCAATTATGCTTCAAGATACACAAGCAGAGGTGGAGGACTTCAGAAATCTGCTTACCTGCCCTTCAAGGT  
AAATAGTTCGGGTGAATGCCAATAATCTTCTCGACATCAACGTTGGCCCTTCCAGGTACTCTAGCTCGTTCA  
CAGGGCTATCGGTCCTAAAGAAGGCTGCACTTGCTTTAAATCCAGGGGGTTCGTTCTATCTGCCAACCAACAT  
CCTTTTGATAGCCTTCTTCAACTATTACTA

>trans\_c\_627 AY625680|Triticum aestivum MYB transcription factor (MYB80) mRNA, complete cds

AAGAAGAAGAGAGAGAATGAGAGAGAGACCCTCGTCTTGTCTGACGAACCATCTTGCCAAAATCAGAATTT  
GCATTCCCTCTTCCCCCTCCTTTCTCAAAACCCTAGAACAGACAAATCCAATTCCATTTTGCTCCCCGCTGGCC  
GCCTTCTGCGCCGTATCCCCACCACCACCACCACCACCGTCGCGGCGCTCCTCACTTTTGTATCAACTA  
CCTCTGAAATTACCAACCATCTGCGTTTCTTCCCCCTAAATTTTGGAGACTTTTTTTTGTCTGTTGACTTCCG  
AGATGATGGGTCTGAAGCTAATTCATCGGCCATCATTGGGTTTCTGAGTCTCGTCCAGAAAACGACTTCGAGT  
TGTATCTCTCCTCATCATGTATCATGCTAAGAAGTTTTCAACTGCGAGCTTAGTTCCACACAAATCTCAAGGTGC  
TGAACAGAGTGCGAGTGTTGCGGTTCTTGGTGGCTCTACAGCCAAAAGTCCAATGCCACCCGGAGGAGGTGG  
AAAACAACGCTTGCATGGACATCAGATCTTACGATCGTTTTGTGGATGCTATCACACAACTTGGTGGACCA  
GATAGGGCAACTCCAAAAGGTGTTTTAAGAGTGATGGGGGTACCTGGTCTTACCATATATCATGGCAAAAGC  
CATTTACAGAAGTATCGACTTGCAAAGTATTTGCCAGAATCTCCAGCAGATGGTTCTAAGGATGAGAAGAGAA  
GCTCAGAGAGTCTCTGGAACAGATTCTCTTCGGGCCTGCAAATTAATGAGGCATTGAGGATGCAAATGGA  
GGTTCAGAAACGTCTGCAAGAACAGCTTGAGGTTGAGAGGCAATTACAAATGAGAATAGAAGCCCAGGCGAA  
ATATTTGCAGAAGATCATTGAGGAGCAGCAGAACTAGGTGGTGAATCGAAAGACTCCGAGGTGGTGCCCTC  
AGCTGAAGATAATAAGCAAAAAACTTGCCAGTCTGAGTCGTATGGTGATGTGTCTGCAGGACCTTCATCTCCC  
CGAAAGAAACAACGCATTGATCGAGGATCAACAGACGATTCTGCCCCATCTCCGTCTATTAATTTACCTTAACT  
TATCTGAATAAATCGGCAGTAAATGGGACTGAATTGTATGAAAAGTAACATTGGGTGCGGTTTGCATCAGAG  
CTCAAAATCAAATCAATGGGGAGAAGAAGGCAGATCAGCTACATCAAGTGTACCTACAAAGTTAAGATCCATC  
CAATCTGTGGTTTATGGTCGTCTTCAAGAAGTAGATGATGTTTGTAACTTTGTATATAAGTCTGCACATTGAA  
CCTATTTGTAACTTTATTGAAATACTTCTACGTAAGA

>trans\_c\_628 XM\_002889919|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

AGTCATTATGTATCATTGGCTCAATTGGATGAGAACGATGGCAGTGTAGCAAAGCACCTTGAATCTGCAAATA  
CAATGTTCTCCTTCATCTGGTGGATTATTGGATTCTATTGGGTATCTGCAGGAGGACAATCTTTAGCACAGGCC  
TCTCCCCTACTTTACTGGTTATGTATCATATTCTTGGGTTTTGATGTGTTCTTTGTGGTTTTCTGTGTTGCTTTGG  
CATGTATCATTGGAATTGCTGTTTGCTGCTGTCTTCCCTGTATCATTGCACTTTTATATGCTGTAGCGGACCAGG  
AAAGAGCAACCAAAGAAGATGTCGAACAGCTGTCAAAATTTAAATTCAGAAAGGTTGAAAATGCCGAGAAAT  
TCTCCTCCGATGTACAGGAACCTCTTGGTGGGATAATGTCTGAGTGTTGTACAGATTCACCCATTGAACGCCCC  
CTCTTGCAAGAGGATGCGGAGTGTTGCATCTGCCTTTCTGCATACGAGGATGGCGTTGAGCTACGAGAGCTCC  
CATGTGGTCATCACTTCCACTGTGCGTGCGTCGATAAATGGCTGTATTAATGCCACCTGTCCTCTCTGCAAG  
TTCAACATCTTGAAAAATAGCAATCTTGCTCAAGAAGAAGTTTGAAAAATACGTTCCGATTACGTCATATGA  
ATGCTTATACAGATGGGTTGTGTGTAGTTATGAAAGAGATGAATCAGAAAACCTATTATAGGGTCTTTCTTTTG  
CAGCAGATGCTATTTTTATTCTTTGCTGTAGTTCTTGCTCTGCTCGGGTTGTTGCTGTAAATGGCGATTGAAGA  
TTCTCTGTAATGACTAATTCTCAAGGCTTTCCCTCCTCTAGTCCTCAACTTATGTAATCGTATTACCCAATAAA  
TTTAAGTTGCAAATCTTTAGTTTCTGTTCCAACTTTGTTGCTGCCTTTGGGAGTTTATGTGCACATCTTCCCATTG  
TAGTCATGGATTTGTATGGCACCCACAACTACAATTTAGATAGGAAGAAAAAGGATATTACAAATTCATTCC  
ACCAGTTTTAATATTTGTAAGATACACATTTAGGGACGGTTTGAAGAGTTGAAATGTATTTAAGATTACCGAAA  
ATACAACGAAAATGAGATCGAGAAGACTGCACGAGAAGAGTGAAGCAATAAATCGAAAAATCATAATATAA  
ATAGAGTTCCAAATGTTTAATACAGATCTCAACTACATTTTTATATATTTCCATTAAGTCCATCAAACACATTCTT  
AGATTTACTTTAGATTTACTTTTTCTTTTCTCGATAAATATATATTTTTTCGATGGATGATGCTGTCAATTATTA  
GTCTTTACCTACATTTTATAA

>trans\_c\_629 AB205043|Chrysanthemum x morifolium CRTISO mRNA for carotenoid isomerase,  
complete cds

CTCGCTGGTGGATTCTTCGTACAGAAAGTTCCAGTGTTGCTAGCTTGGATCCGCTATTTGTCTTTGACTATCAC  
ACATACAAGCTCCTTCTAAAGGTGCAGTACAACAACATCATACCCGCTGTAAACGGTATGAAAATGGACAACG  
GGGTAGTTGAAGTTACTGCACCAATAGCCATGGTTTTCGGGTATCGTCTCTTGGCTTACATTTCACTGAGGAG  
GATGAGGCTTCACTCAGGGAGTTGATACAAAAGATTTCTCAGAGGGTAATTTGCTAGAAGAACATCAGAG  
CATTGGCTTACTTGAGCTTGAATTTGAGATGCAAGGTCTAACCATATAGTAAGAATCTCCATTTTGGAACCTTT  
CTTGGTATTGTGTACTCCCAAGAGAAAAAGGAACTTACCTGCTGCCGATGGTTGATCACATCAAAGGCCAAAA  
CAAACATATTTTCATCAATATGGCTTGCTCATGGAGGTGTTTTCCACTTCGGCATCTAGCTAGAATAGTTGAAC  
ACCTAAATATAGTAGCCTGAAACAGTAGAGTTTAGTTCCAATCCGTGAACATAGAATGTTGGGAGAACTTTTC  
TTTTTTCTTCTTCTATAAGAGAAACATTCAGTTCAAATGTTCTTTTTTGGTACACCTGTTTTGTTCAACGCCAAA  
TTGATTATTGTAAATGTATGAATATGAGCCTGCCTACTAGTGCTCTATCTCTAAAAAACTATTGCCGCAGCTG  
TTACACGGCTGACCCTTGAAAATATTATGGCACGAAGAAGATGGTGCATTCTCACATCAAATTCAGGCCAA  
GGTCCTCAACCAACCAAGTAACCGAAGAAGGGCCGCATCCAAATGGGGGACTTCTTTTCAAGCCCAATATCT  
GCAGCTACTCGGTGTGCACACATCACTCCGAAAAAGGCTACAGCAATTACTCCTTGCCAGGAAAGCAACTAT  
CACCAACACAATACAGCCCATCTATACCAGTTGTATTAATGGCATTCCAAGCAATCCCTTAGGAGTGCCTCGT  
GGCATTGGTCCATAGGTACCATTATCACGGGCTAGGAATCGCCTGTGTGTCTTTGGCGTCCCAAACCTCCATAA  
AATCAATAGATGATTTTAACCTGGAAATAGCTTCTCTCGAGTCTAGTGATAATTCCATCTGCTATCAGCGCCT  
TCTTTGCTTCGTACTCTTCCCTAGAGAGCCCCTCCCAATCCTCCATGGAAGAAGTAGTAAAAACGTGAAGAATA  
TGACGTCCATCTGGAGCTAATGATGGATCAAGAACAGTCGGGATGCTCAGAAAGATGCTTCCATATGGCTCCT  
CTAACCTTCTCCAATCACTCTCAAGCACAAAATG

>trans\_c\_630 NM\_122899|Arabidopsis thaliana protein binding (AT5G35080) mRNA, complete cds

AGGCCGTAAAACCCAAAGACCCAATTTCTTCTCCTCTCGACCTCGACGTCGCCGTCGCCGTCGCCGCTCTTCCT  
CCCCTAGCTGAAATTCCTGACCCAAAACTTTGCTTCCCTCGTTTTACCATTGTACATGCGTTTTAGGACGCAG  
AGATGACGCAATTGCTGTGGTTGATCCTTTTAGCTGGTTATCTTGGCACTTTGCGTTAGCTGATCAGATCTTCC  
CAGCTCAATTAGGTGGAACATTTAGTCGCAACACTCGTGGGCCAAAATACAATATTGAATTCCATCAACAAGA  
CTCTCCTTACAATCCTGATGAAGACCAGGAATCTGTGTTTATGCCAATAAAAAATGGAAAGAATTACTTGTGTT  
ACTTGCCTAAGGTGGAGAAGTCCAAGAGCGGAAAACCATCTATTCAACTGAACATGAGTAGCATGATTGTGG  
AATCTGAGAAGCGAGTCAAATTGAAGACTCCAGACGAGCTGCTTGAGGCATTAAAAGAGCAATGCTTTGTCA  
GGCAAGAGGGTTGGTGGACATATGAATTTTGTACCAGAAAACACTAAGACAATTTCATTTGGAGGATGAAA  
AGGTAGTTCAGGAGTTTATATTGGGCGTCTATGATGCAGAGGCAACTGCTAAACTCAATGAGAATCTCTCTGA  
TATATCTACTTTGAAGGATCCTCGCTCAAAAGATGCATCCCAAAGGTATCATGCCCATCACTACACAAATGGAA  
CCATGTGCGACCTCACAAACCAACCACGAGAACTGAGGTTAGATTTGTTTGCTCAGAACCGCCAGAGCCAT  
GATCAATTCTATCAGAACTATCAACGTGTAAGTATGCACTTACGGTGCGATGCCCGACACTTTGCAAGCATA  
TGTTATTTGAAGAAGAAAAACAGTGTGGTACATCATTAACTGCAATGAGCTTCCGGATGATTACAAGGAAAC  
AGAGCGGAGTGAAGAATCAACAGATGAGATTGTCATGGTTACTGACATCAAATATCCAAAAATGAATCTGA  
AGATTAATGTGAATATTTTATATCATAGAAGTTTTATCAACCAAATAACCCTACAAACAAAGCTTTTTCC  
TCTGTAGATTTTTTTTTCTTTTTCATATTCAAATTATATAATTGCTGTGAAGATCAATCCATCGATTTTCAAGCC  
CCACGAGTCCACGACGAAAAATTCCGCGTGAATTGTTGTATCAGTTGGTCATATTTGAGGTCAACCTGAAAG  
CTACTGATATGGCAGTTTATGGGATTTATTGATTTGTCAAACGATTGACTTCTGTAGGGAAAAAGTTTGAA  
TTGCCAAAAA

>trans\_c\_631 AY230843|Arabidopsis thaliana 26S proteasome subunit RPN11A (RPN11a) mRNA,  
RPN11a-1 allele, complete cds

AAAGAACTTCAAGTCTTGCAATCCCGGCAGCTGGAAAGATCGACGCGGAGGGAAAGCTTTACGAATGGAGC  
GGTTACAAAGAATGTTGCTGGAGCCGGAGGTTTATTGGGGCACCCGCCGCGGACTCCCCACTCTTGATTC  
GTCGGAGCAGGTCTACATCTCCTCGCTCGCGCTTCTGAAGATGCTTAAGCACGGAAGAGCTGGGGTTCCCATG  
GAGGTGATGGGTCTGATGTTGGGGGAATTTGTTGACGAGTACACCGTGCGCGTGGTCGATGATTTGCTATG  
CCGCAAAGTGGTACGGGTGTCAGCGTCAAGCTGTTGATCATGTATTCCAGACCAATATGCTTGACATGCTTA  
AACAACTGGACGCCCTGAGATGGTTGTGGGATGGTACCACTCTCATCCTGGATTTGGATGTTGGCTCTCTGG  
TGTCGACATCAATACTCAACAGAGTTTTGAAGCTCTTAATCAGCGAGCTGTTGCTGTAGTTGTGGATCCGATCC  
AGAGTGTCAGGGAAAGGTGGTTATTGATGCCTTTCGTCTAATTAATCCCCAGACAATGATGCTTGCCAAGA  
ACCACGTCAAACAACATCAAACCTCGGCCATCTTAATAAACCATCTATTCAAGCATTAAATCCATGGATTGAATC  
GCCATTATTACTCTATTGCGATTAAGTATAGGAAAAATGAAGTGAAGAGAAGATGTTGCTTAATCTTCACAAG  
AAGAAATGGACTGATGGCCTAACACTTCGACGATTTGATACACACTCAAAACTAATGAGCAGACTGTCCAGG  
AAATGCTGAACTTGGCTATCAAGTACAACAAGGCAGTACAAGAAGAAGATGAAATGCCACCAGAAAAAACTG  
CAATTGCAAACGTGGGAAGGCAAGATGCTAAGAAGCACCTGGAAGAACATGTCTCCAATTTGATGTCATCAA  
ACATCATACAGACATTAGGAACAATGCTTGATACAGTTGTGTTCTAATTGAAGTATGATCGTTAATGAAGTCTT  
CGTCCCCTGCCAGAAACATTCGGATGATTCTTTGTTCAAAGTTGCAGGGTGTCTGACTGTTAAAAACAAGTTCA  
ATAGTGCTTAAAACTCTTCCATTGCTAAGAACTCTGCCATCTTTCATTTTATTGATTAATATTTTATTGGA  
TCTTAGAATGAGAGGTGGTTTTGTTTTACAGGACAAGTATTGGTTTCAATGCTTGGGATGTGAATGAAAAAG  
ATATAGGGTTCATAATCTGGACATTTTGTAATGTACGAAATTTCTTAGAATAAACAAACGTAATAATCAAT  
GTATTTTCAATCAAAAAA

>trans\_c\_632 NM\_001068917|Oryza sativa Japonica Group Os08g0540300 (Os08g0540300)  
mRNA, complete cds

AGAAACCAAAACCAAAACCCCACTTTGATTCTCTCTCATCCCTCATCTTTCTCTCTCTTTCTCTCTCTTTACCGA  
CCCCCTCAAGAATTTCCATTCCCTCTCTTCTCCCAATTTATCGCCATGGATTCTGAGGACGATCTTCATTACTCCA  
CCGACGTTGAATCCGTCGATGATGATTGCGATTTCTACAGCGGTGAGATGGACATGGGTATGGGTATTACTC  
CGATGACGATGACCCTGATGCTGAGGATTTGTCGATGATGATACCGATGATTACTTCGAGGCCAGCCGACGC  
GAACAAAATTACACAATACTAAATGAGTCGGACATAAGACAACGGCAAGAGGACGACATTACAAGAATTTCT  
TCTGTACTTTCTATATCACGTGTAGCTCCAATTGTCTTGCTCCGCCACTTCAATTGGAATGTTACTAAAGTCCAC  
GATGAATGGTTTGTGATGAAGCTCGAGTAAGGAAGCAAGTTGGCTTGTTGGAAGCACCTGTTGTACATGTCC  
TAAATGCTAGAGAACGAACCTGTGGGATTTGTTTGAATCCTATCCAAATAATAGGATCAAGTCAGCTGCCTG  
TGGTCACCCCTTTCTGCGTCTTCTGCTGGGAAGGCTACGTTAGCACATCAATTAATGATGGTCCTGGATGTCTGA  
CGTTGAGATGTCCTGATCCTTCTTGTGGTGCTGTGGTCGATCAAGACATGATTAATTCATTGGCCTCCAGTCAA  
GACAGGAAAAAATATGCTCGTTACCTTCTTAAGTCTTATGTTGAAGACAACAAAAAGACCAAATGGTGCCAG  
CGGCCTGGTTGTGAGCATGCTGTTCTTTGACGCTGGCAATGGAAATTATGATGTTTCTTGCTTCTGCACATA  
TAGCTTCTGCTGGAAATGCACAGAAGAAGCTCACCGTCTGTAGATTGTGCTACTGTGGAAAAATGGATTTTA  
AAGAACAGTGCTGAGTCTGAGAATATGAACTGGATATTAGCTAATTCAAAGCCTTGCCAAAGTGCAAGCGG  
CCAATTGAGAAAAACCAAGTTGCATGCACATGACTTGACACCTCCGTGCAAATTTGAATTTTGCTGGCTATG  
TCATGGTGCATGGTCTGATCATGGTGAAAGAACCGGTGGCTTCTATGCTTGCAACCGATATGAGGTAGCTAAG  
CAAGACGGTGTGTATGATGAGGCTGAGAAAAGAAGAGAGATGGCGAAGAATCTTTGGAGAGATACACTCA  
CTATTATGAACGTTGGGCAAGCAATCAAACATCTAGGCAAAAAGCAATACCAGATTTGCATCAAATGCAGAAT  
GTGCATATTGAGAACTCAGTGATATACACTGCA

>trans\_c\_633 EU809511|Garcinia mangostana AG-motif binding protein mRNA, complete cds

ACTCTGTGTTTCTTTTAGTCTCTTCTTTGTTTCCCTCCTTCATCTTCATCTCAAATTCATTTCACTCTCT  
CTCTCTCTCTAATGGAACCTTCTCTTACCAATTCTTAACTCTATCTCTCTCAAACCTCTATTCCCATTTCTC  
CTCACTTCCATTTCTATTTTAATTTAGGAGAAATTTTATTTGTTTAAAGAGGATGATTGCAGCAAATACCGTG  
GAGGAAATTGACTGTGCGAATTTCTTCGACAATATTGAGGACCTTCTTGAAGACCTTGATGATCACGACGTCG  
ATTTTAATACCAACTCCGCTGCCTTCCCTCCCATTTGGTCTCAACATTCCGATTCTTTGCCTTCCGACGCCGTCG  
CGACCCCGTCCTGTTTCCCGTTAATACTGCTGACTCTGCACTCTCCCCGACCTCTGTGTTCCGTACGATGACCA  
AATGGAATGGCTCTCAAACCTTCGTTGACGATTCTTCTCCGGCGCCGAACTCTAACCATCAACACTTCCAATT  
CATCACCGCCGAGCCAATTTACATCTCAAGTCCAGTCTCCGTTCTCGACAGTAGCAGCAGCAGCAGCTCCAGC  
TTTGACGAAAAAAAACCTTTAACCACCAAGAACGGTAGACGAGGCCGCGCTCGCAGCAAGCGTCTCTGACCA  
ACCACTTTTATTCCCCGGCCACCGCAACTCATTTACCAACGAATTCAGGCAGTAAGGTTTCGTCGGAATCAGA  
GAACTACGCCGAATCCTGTTCTCCATTACCATTACCAAAAAAACGAAGAAAATCAAATTGACATTCGACGA  
GATCAAAACGATGCCCTTAATCCGCAAGGGATGAGAAAATGCCTACATTGTGAAGTGACGAAGACGCCACAA  
TGGAGAGCAGGGCCATTAGGACCTAAAACCTCTATGTAATGCTTGTTGGGGTCAGATACAAGTCGGGGCCGCCTG  
TACCCGGAGTACCGACCGGCAGCCAGTCCAACCTTTGTCCCCTGTTTACACTCCAATTCGCACAAGAAAAGTTCT  
CGAGATGAGAATAAAACAAGTGAAGAAAGGTGTGGAGTTGACGGGGGAAGAATCACCAACCGGAACTCATTC  
CAAATACAGACAGCGGCATTATCCTGGGGTACATTCGACCGGAGAAAGCCATATTGACCGTCCCCTCTCAAAC  
AATTCCTTAATTTTTTTTATTTTTTTTGTGAAAATTTAATTTGTAGGGGTTATTTGTACAAAGAGATGGGGATTTG  
GGAGTAGAAGGAAAGAAATAGAAAGAGAGAATTTAGAATATTTATAAGGGTTTTTAGGGAGAGAGATGATA  
TATGAAGAGTAGAAAGACTAAGGGTTT

>trans\_c\_634 NM\_124501|Arabidopsis thaliana ubiquinol-cytochrome C chaperone family protein  
(AT5G51220) mRNA, complete cds

GATTTTAGACGTAGTAATTAGTAAGCCCAATTCCTGACCCAAAAACCGAAGGGCTGTAGCTGTAGCAATGTT  
GGCGAAGTGGAGCAGGGTCACCCGCCATCTCTCGAGGATTGGAGTGCAAACCAACTTCAAATTTAGTACAGA  
TCTCCATGTTTGTCTCATCGAAGTTACGCTAAAGTCGCGGCCGCTGCTGCTCCCAGTATCGGTCATTGCGAAA  
AGGGGGTATCCGGCGGCCATGTGGTGCATTTGGATAAAATGTTTTTGTCTGAAGCCTTGCTCTCTGGCTTTGCC  
CAAAGATTCACCATTGAGAATGGACGAACCACAATACGAGGGCATTAAAGCGTCTTTTTCTCAGAATGATGATG  
TTTTATAGTAAACAAAGCAAGCATATTCGAGCTGCAAATGTAATATACCAACGGATTGTTTCACAAGTAGACA  
AACCTGCCATATATGATGTGTTCAATTTGGAGAAAACATTTAAACAACATTTTCTCTGCTTGTCTTCACATGT  
GGCTTTGTCTGCGACGCTTGAAAGAAGAAGGAAAGGAAGGTGTTGAACGTGGGCAGTATGTGTATGAACTTT  
ACAATCATGATATGGAGCTGAGAGTGTCTAAAGCTGGGGTCAATTTGCTTTTGATTGTTGGATGAAAGATTT  
AGAAAAAATATTTTACGGAAATATTGTTGCTTACGATTCTGCCATGCTTCCAGAAGCTGGGAAAGATGAGCTG  
CCCAACGTCATATGGAAGAACATATATTCTGATGATGGATCAGCCATGCCAAATGGTGCTCCTGCATTACGAG  
CTGTGCAGGCAATGGCTAGGTACACTCGTCGTGAAGTTAGTTGCTTGTCTTGACAGACAAAGAAGCAATATT  
TTCGGGGAACTTCATGTTCACTCCATTGGAGACTGGGAAGCCAAGCACAAAGGATGGAAGGTGATAATTGCT  
GAATGGTAATGATTGAGTTCTACCTTCAAAGGGAAAAGAAGTCATTTTATTAGCAACTTACCTAAATAATATC  
CATAGAATTTTATAGAGAAGGTTTTACTTCTACCTCCTACTGAATCCAATTTATTCATAGAGTTTCAGTATCAA  
TGAGGTGCCTTCACCGATTCTCTTCTACCTTTTCAATTTGCTTGATTAGTTTTGTATTATTTTTGTTTGTGAGAAG  
CTTCGTATGAATAGATGTTGAACAAAACCTAGCATTAGTCATAAATTTCTATAAGGAATCAAATGATCATGAACC  
ATGGTCATAAAAGTTATTGTAGAAGTTTCGACTTTACCTCATCTATTTTTGTTAAATGAAATACTTGGGGTAGA  
GTATAATGGTTGAATATGAATATAGATTTGACTC

>trans\_c\_635 EF611045|Hevea brasiliensis ethphon-induced protein (Etle) mRNA, complete cds

CTCACACTCGGCGCCCTCGCTCCTTTTTACCCCTAATCGATCGACCTTTGAATTGTAATTTCAATTTCTCTATGAGG  
ACCGGAATGCGGTACCACACCGGTAGTGAGGATCACCGGCGGGAGTCTCATTTTCTCGAAGCTTGTTTTCTCT  
GCCGGAGGCCGCTCGGATTCAACCGAGACATTTTCATGTACAAAGGAAACACGCCGTTCTGTAGCAAAGAAT  
GCCGGCAGGAACAGATTGAGTTCGATGAAGCGCAAGAGAAGAGCTGGAGAATCTCGTCGTCTCGTCTCGTCTCGT  
CTTCGGCAGATAAAACGAAGACGTCTAGTAAGAAGAATGTACGAACGGATACAGTTGCAGTGGCCTAAAGTT  
GGACGAAGGAATTTTGAGGAAAAAGGAAAAAAATTAGGGTGAAAACAGAACCCCTAGAAATTTTCGGGGGAG  
AGTAAGAAAAGAGAAAATCAAATGAGAGAGGAAAAGAGACTGAGACTGAGTGGAATGAAGAATTGAGAAA  
ATATTTGAAATCTCTTCATGTGAAGAAGAAGAAGATTGGATTGGCAGACACACTATACAGAACTGTTCTGGTT  
CTGTTCTGCTTCAATCATCTACTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTGGGTTTATGGAGATATTCATAT  
TACTGTGATTAGTAAAATCTGTGGAAAAAAATTGATGATCTGCCATGGAAATTCTGTTGAAAATTTTACGAAT  
TATAGCTTTGGGGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTCAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCCCCCCCT  
TTCCCCCTAAGGGGGGCTTATTACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCCCCGGGGGGGGAAAAACCCC  
GGGGTTCCCCATTTTATCCCTTGGAACCCCCCTTTCCCCCGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCC  
CCCATCCCCCTCCAAAATTTCCCCCCCCAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTTTTGCCGCCATTAACCCCG  
GGGGGGGGGGGGTTTCCCCAAGGGGGGCCCTACTTTTTGCGGGCCCCCAACCCCCCTTTTTTTTTTTTTT  
CCTTTTTTTTTCCCCTTTTTGCGGGTTTTCCCCCTAAAGTTTTAAATGGGGGGGGCCCCCTTTGGGTTCCAATTT  
ATGGTTTTTCCGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTATTAGGG

>trans\_c\_636 XM\_002331026|Populus trichocarpa vacuolar H<sup>+</sup>-translocating inorganic pyrophosphatase, mRNA



TTCTTTATTGGCATTGTCTTGGTTTTCTTAGAGTGTCCAGAAGGCAACATTGTCTCAATATTTCTGTTTTAGTC  
TTTCTCCAAAGTATTCCAATGATAATAACATTAATTTGTACGTGGATACCATGCTTGCCATCATTAGCAAAAAC  
AACCCAAGTCAAAACTTGATTATTTTTTTGTATTTTTCCAGGGTTTTGCCATTGGTTCAGCTGCTCTTGTGTCCC  
TTGCCCTCTTTGGTGCCTTTGTTAGCCGTGCTGGTGTGTGCTTGTGACCTCTTGACACCCAAAGTTTTATTG  
GCTTGATCGTTGGTGTCTATGCTGCCATACTGGTTTTCTGCCATGACAATGAAGAGCGTTGGGAGTGAGCCCT  
GAAGATGGTTGAGGAGGTCCGAAGGCAATTCAACACAATCCCAGGTCTCATGGAGGGTACTGCCAAGCCCGA  
CTACGCTACATGTGTCAAGATCTCAACTGATGCTTCTATTAAGGAGATGATCCACCTGGTGCCCTTGTCTATGT  
TGACACCCCTCATTGTTGGTATCTATTTGGAGTCGAAACTCTTCTGGTGTCTTGTGGATCCCTTGTCTTCTG  
GTGTCCAGATTGCTATCTCCGCATCCAACACCGGAGGTGCCTGGGACAATGCTAAGAAGTACATCGAGGCTG  
GTACCTCTGAGCACGCAAGAACCCTTGCCCCGAAAGGATCAGATCCACACAAAGCTGCTGTTATCGGGGACA  
CAATCGGAGACCCACTCAAGGATACATCTGGACCTTCTCTCAACATTCTCATCAAGTTGATGGCTGTGGAGTCA  
CTCGTGTGCTCTTTCTTTGCCAGCCACGGTGGTATTCTGTTCAAGATCTTCTAAGAATGAAAGAGGAATGA  
ATCTTTGTGCCATTACATCATCTCTCCTCCTTCCATTGACATAACCTCTCCCCTCTACGAAATTTTCAATGCTTTT  
TTTAGACTTCATATTATTATATGTTCAAGTCTGTAGCTTTGATCCCTTTTGTAGAACTTGTAGTTTCAAGTGGC  
AGAGCCTTTTACCCTTTCATCGTTGTGATGATGATGAAGAAGAAGAAAGATAAGAAGATAAATCGGTC  
AAATCTTGTGAAATGAGACTGCGAAGTTAAAATTCTCTTTTTCCCAATTGAGAACAGGCTATTATTGTTATTCTC  
ACTCCTTTCTCCCTCTCTCTTTTCTCTGTTCAATGCTGAGTCCCATTGTAATTTGAGGACCTAAAATTTTGT  
AGGATCTTATACCAATGCATTCGTGGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_637 NM\_124585|Arabidopsis thaliana ATBAG1 (ARABIDOPSIS THALIANA BCL-2-  
ASSOCIATED ATHANOGENE 1); protein binding (ATBAG1) mRNA, complete cds

ACTCGTTTTATATTTCTCTCTTTTCCCCTTTTCTATCTTCCTCGTTGCAGTTTCTCTCACAAAATACAGAGGG  
AGAGACACCAAATACTAAGTCTTCAACTTCATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTCTTTATTTCTTTGG  
TTCTCTCAACTTAGCAAGTGGGGTGAGGAAATTTTCTCAAGGAACCAACTTCATGGCTAATTTGGCTGCAT  
CTTGATTCTCTATGGTCTGACAGATTCTGGGTGTTGAGATTTTACTCAAAGGAGAACTTTGTCTTCAAAGT  
GGTCTTAGATTACAAACCCCTTCATTTCAATTCATCAACAACAAGACTCCCATGAATTTTGTTCATTGTGGTTTCT  
CAATCGCTGTTTTAAACGCCTGTCTTTGGAATTGCTTCCACAAAACCTCTCTAAATGCTGCCGTCTCTGTTTCT  
TCTGCAATACCCTCTTGAACCTCTATTGGGTCTCTTTCGTTTCTTCCACAGATCGCCGGGATTTTGTCTTCCACGC  
CGTCGAGATCTGCCGTTTTCCGATGTCAAAGTTGATGAAGTTGAAGACGAAAACGACAGAGATGTCAGAGAT  
GAAGGGTAGTTCCACCGTCGGTGACAACCGACCGATGGATTGGGAATTACGGCCAGGGGGGATGCTTGTTC  
GAAGAGAACACCTGATTCCGACACGGAATCAACTCCGGCGCCGATGATTAGAGTTAAAGTCAAATACGATTCT  
ACTTACCACGAAATTAGTATTAGTTCTCAAGCTACATTCGGGGGAATTGAAGAAGATGTTGGTTGGACCTACGG  
GATTACACCATCAAGATCAGAAGCTGTTGTTTAAAAGAAAGAAAGAGATTCAAAGGCCTTTCTAGACAGTTG  
TGGAGTAAAAACAAATCCAAGATTGTTGTAATGGAAGACCAATTAGTAAAGAAAGAAAGGTATGTTGAGAT  
GAGGAAGAATGCTAAATGGAGAGAGCTTCAAATCAATATCAGAAATCAGCCTTGAAGTTGATAGACTAGC  
AGGACAGGTTTCTGCTTTGGAATCTGTGGTTGTAAAGGTGGGAAAGTTGCTGAGAATGATGTGTTGAATTTG  
ATTGATTTGTTGATGAATGAATTGCTTAAATTGGATGCTATCATGGGAGAAGGAGATGTAAAGTTGCAAAGG  
AAAATGCAGGTAAAAGAGTGCAAAAATATGTTGAACTCTTGATTGTTGAAGATGAAAACTCAATGGCTA  
CAATTCAAACACAACCACAACCACAACCAACTCAACTCCAATACAACAACAACCACTCTAATCATCAAAAG  
ACAACAAGTACTAGGCCTTTCCT

>trans\_c\_638 NM\_001062780|Oryza sativa Japonica Group Os05g0551000 (Os05g0551000)  
mRNA, complete cds

AAGCTTGTGTTGCTGAAAAAGATTCTGGGCTCATTGAGAGCTTGGACCAAATGATCAAATGTTCAAGCCTGG  
TTGGAAAGATATTTTCCGCATGAACCAAATGAACCTGAATCAGAAATCAGAAAGGTTTATCAGGACTCAACT  
CTTGATCCAAGGAGAAAAAGCATATCTCGTGCAAGTCTTATGACCAGTCGCTGGATTGCTGCACAGCAGAAAT  
TACCTCAAGCAAATATAGAAGATAATTCCAATGGTGAAGATGTAAACAGGACGAATGGCATCTTTTCGCTGTGT  
GGAGAAAAAAGAGTTTGGGTGTGAACATTACAAAAGAACTGCAAGCTTCTTGCTGCTTGCTGTGGAAAGTT  
ATTTACCTGTCGATTCTGTCATGACAATGTCAGCGACCACTCAATGGACAGGAAAAGCAACATCAGAGATGATG  
TGTATGAACTGCCTAACTATCCAACCAGTTGGGTGATATGCACAACACCTTCTTGCAATGGATTGTCAATGGC  
GAAATACTATTGTAATATTTGCAAATTTTTTGATAACGAAAGGGCTGTGTATCATTGCCATTTTGCAACTTATG  
CCGTGTTGGGAAGGGTCTTGGGATTGATTTTTTCCATTGCATGATTTGCAATTGTTGCCTTGGGATAAAGCTGG  
AGAGCCATAAGTGCCTGGAGAAAAGTTAGAAACGAATTGTCCCATCTGCTGTGATTTCTTATTTACATCCAGT  
GCAACAGTCAGACCACTACCCTGTGGTCATTACATGCATTACGCTGCTTTCAGGCGTACACTTGCAGCCATTA  
TACCTGTCCTATTTGTAGCAAGTCCTTGGGAGATATGGCGGTTTATTTCCGCATGCTTGACGCCTTGTTGGCTG  
CTGAGGAGCTGCCAGAAGAGTATAGGGATCGTTGCCAGGACATATTGTGCAATGACTGCGAGCGGAAAGGC  
ACATCACGATTCCATTGGCTATATCATAAATGTGGGTATTGTGGATCATACAACACTCGGGTAATCAAGAATG  
ATACCACAATTGCTGATTGCCCTCTTCCAATCAGTAAGAGATTTGTTTTCCGGTGAGAAAAAAGATAT  
ATACACGCTTTTATATTGCTTTCATTTTGTACATATTAATTATATATCAATCCCTCTCCACCAGGAACTGGTTTT  
TTGTTACATCTAATGCCACACAACACGTTGTTTCATATCCCGGTCTATGTAGATGTCCATTTTATATATTCATCTTG  
CGAACTGTAAAATTGAATTTACTTTGATATTCAATATTCATAGAACATCATCGCCTTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_639 EU912392|Brassica napus WRKY17-1 transcription factor (WRKY17-1) mRNA,  
complete cds

TCTTACTTTCTCTGATTACTCATCATTCTCTTCTTCTTCAATGATCTTCTTCTTGATTCAGATCTTTTCGT  
CTCCGTTTCGAGTTTTCTTCTTAACATATGGCGGTGATCTGATGAGTTTTCCGAAGATGGATGATCAAATCGCT  
ATACAAGAGGCAGCGTCGCAAGGTTTGAAGAGTATGGAGCATTGATTGCTCTTCTTCTCACAAGCAACCTT  
CAAGCCATGTCGATTGTTCTGACCTAACCGATGCAACCGTTTCCAAGTTTAAGAAAGTTATTTCTCTCCTCAATC  
GAACCGGTCACGCCAGATTCCGCCGAGGTCCGATTCTTTCGACTTCCTCATCGTCTTCCGGTTCATCTGCTCATC  
TCTCTCAAACCAGGCCATGACTCTCACTCCTACTCCGTTTACTTCACCGCCGAATGTTCTGCTCCGCCGTTCA  
CCGCTCCGGCTACTATCGCTCAGCCACAGACGAAAGTCGTGCTGCGGCCGGAACCTTTCTACCTCATCCTCAG  
AGTATGACTCTCGATTTCACTAGACCGAATATTTGAACTCCAACCCTAAGGGAACCGATTTGGAATTTCCAA  
AGAGACCTTCAGTGTGTCTTCGAGCTCATCGTTCATGTCCTCTGCTATAACCGGAGAAGGAAGTGTATCCAAC  
GGAAAATTAGGAACGTCTATCTTTTAGCACCAGCACCGACTGCTTCCGGTGTTAAGCCACCGCTCTCGGTGCG  
CACCTTACAAGAAGAGGTGTCACGAACACGATCATTCCGAGGACTTATCCGGAATTTCTCCGGTTCAACATC  
AATTTCCGGGAAGTGCCATTGCTCGAAGAGAAGAAAAAATCGGATGAAGAAGACGATCCGAGTCCCGGCTAT  
TAGTTCAAAAATTGCCGATATTCCACCGGACGAGTACTCATGGAGGAAGTACGGTCAGAAGCCGATCAAAGG  
ATCTCCATACCCGCGGGGGTATTATAAGTGTAGCACAATGAGGAGATGTCCGGCGAGGAAACACGTGGAGA  
GAGATCCGAACGATCCGGCGATGTTGATTGTAACGTACGAAGGGGAACACCGCCATACACAAAGCTCGTTAC  
CGGAAAATATGGCCGCGGCGGCTGGAGTAGCTTTAGTTTTTGTAGTCAACTTGACGCTAGAATAATAATAATAA  
GAAGAAGAAAAAAGTGGATTAAATTTGTGGAGATGAATGAGAAAGAGAAAGAGAAAGAAAAAGAAAA  
AAAATTTGAATTTTGACTTTGTTTTATCTCTTCTGATGATTGTACATTAAGAAAGACGAAGAAATTCG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_640 NM\_130115|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT2G45530) mRNA, complete cds

ATGTGGGAGTGAGATTTGGCGCCTCAGTTGCTAAAGCAATATCCTTGTGTTTGTGAAAGCCTACAAAATAAC  
GTGGAGTCATATACTCTTCTCTTAAATTACGTAATTCCAAAACCCATTTTTCTTGCCTTTTCAATTCTCACCTAA  
AAAAAGGAAAAAGGGGTTGAGAATTTCCCTATCCTTTTTCTTATTTACCTCTATTTGACTGCTTCAACTGTT  
GAATCTTTAATCCTTCAAGTCTAAGTCTCCAGGATGTGAGAGAATATTGAGCAAAAAGGGATGAATAGATGAT  
CTCAGAAATGTTAGTCAAAAACCTTTGTGTTCTATTGATTCAAGTTTGTGGAGTTCAAAATTGAAATGAAGCT  
TTCGATGGATTGCCATTCAAATGATGTAAAGGCCAACGCCGGCAGGAATCAGAGCAATGAAGGCGACCTTGA  
GAAGCAGAGAGTTGCTCAGCCATCATCATCATTAGAGCTCTCTACCAGAGATGGTGATGATAATACACCATTA  
ACCATTGTTGTTTCTACAGGGGAGTCTAAACCAACCTCTGAGGTTCTGGTCTGGGACTCTTTGCTCTCAAGA  
AGAAGGGTCATTGGCTTGTGCAGTTTCCCCAAAAAAGGAGTTCTCATCTACTGCTTCTAGTTCTGACGAGCAGT  
GCAGAAATATGTCAGCAAGAGAAGGAGGAAGTCTTGATAGAATTGGATGTCATTGCCGAGGCGGTCTCGCAA  
AAGCTCATCGGACTTGCATAGATACTTGGTTTCGTAATAAGGATCAAACAGATGTGAGATATGCCAGGTTGT  
AGCGGCAAATGTATCACCTCCACAGTCACATCATGGTACCAACTACTGGATTTGGAGGATTGATCCAACCTAT  
AGAACTCAAGATCCCCAAAGGCAGTACTGCTTCAGTCCACTTTGGTTGGCTTTGCCATTCTCATAGGAGGTCT  
CCTACTAGATATTCTTATATCAATCACCTCGGTGTTTCCGCATTGCCTGTAAATATCATCATCGGAGTTATTGT  
GGTGCTTGGACTTGGAAGTGTGTTTCGACTTGCCTTGAGTTCTTTCAGGAGTGGAATTCAGCAAGAGTATCA  
CGAAGGGTGGAATCAAATGTCACTATTGGGTACTTTCCAGCTATATAGTCTTCGAATGTTTGCTTATAAAAGAA  
GAGAAAGGAAACGTTATATAAATAAAGTGAAAATATGTCTTATTCTGTTTTTCTTCTACATGTATTGGCCT  
CTTGATCAAACATATTAGTTAACTTACTGTGTAAATTTGACAGTAAATCAGTAAATATGTTTAGTGAAATTGC  
AAGTGATGAGCAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_641 NM\_001054967|Oryza sativa Japonica Group Os02g0804300 (Os02g0804300)  
mRNA, complete cds

CTCTCAAATTAGCGCCGACCATCCCTCTCTCTCGCGTGCTCCAGCCGAAGGTGAACCTCGAGTTGCCCTCTCTC  
TCGCAGACGCTTCAGCCGCCATTAGAAGGAGCCCACTGTCCGGTGCTTCTTCTCCTTCTCCGTCCGCACT  
GCCGTCATTCTCCGTTTGGTTCATTCTAGTAAGGCTTACCAAACACCAAGTTTTAGTGAGTTTTGAGATTTG  
GAGTTATTTTCTCGTTTGCTTGAAATATGACTTCAAGACCAGAACTACAAGCTCCTCCAGAAATATTCTACAAC  
GATGCAGAGGCTCGAAAATATACTTCATCCTCACGTATCATCGAAATTCAGGCAAAATCACAGATAGAGCAT  
TGGAGCTTCTACTTTGCCTGACGACGGAGTCCCAGATTGCTTCTTGATATTGGCTGTGGATCGGGTCTGAGT  
GGGGAACATTGTCTGAGCATGGACACCAAGTGGATTGGTTTGGATATATCTCAATCAATGCTTAATGTTGCAT  
TGGAGCGGGAACTGATGGTGAACCTTTACTTGGTGACATGGGTGAGGATTAGGAATTCGTCTGGAGTTG  
TTGATGGAGCTATTAGCATCTCTCGGTTCAAGTGGTTGTGCAACGCTGACAAGTCCTCTCATAATCCTCGACTA  
AGATTGAAGGCCTTCTTTGAATCACTATACAAATGCTTAGCTAGGGGTGCAAGAGCAGTGTTGCAAGTTTATC  
CTGAAAACGTGCATCAGCGTGAGTTGATTCTAGGTTTTGCCATGCGAGCAGGATTTGCTGGTGGTGTCTGCTG  
TGATTACCCACACAGTGCGAGGAGTAGAAAAGAGTACCTAGTGCTGACTTGCGGTCCGCCATCAATTAGTACA  
ACTGTTCCAAAGGGAAAAGATGGAGACTGTGAGAGCTGTTCTGATGATGATTGCTGAAGATGATGAAAAT  
CAAACCGTTCGTATGGCAGCACCAAGGAAAAGGCAGAAAATCATGAAGAGAGGCAGAGGAAGAGAGTGGG  
TACTGAAGAAGAAGGAACAGATGAGAAGAAAAGGAAACATTGTCCCTCCTGACTCGAAATACACAGCCCCGAA  
AACGCAAGGCTCGTTTTGAATATTGCATTTTCAATTTATTCTGTGAGATTACTTAAGCTATTACATAAAAAG  
TTATAAGAATTATTGAGCTTTGATTGAATTTTCCGTCCGTCTTCAAATCAACCATATATATTATGTATATGGC  
GAATGCATTGAAGGCAGAGTGAAATTTGTAGTATATGTTATCAGTTATATTATTGAGATTAGTTTTTATAAAA  
AAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_642 AY262021|Solanum tuberosum erg-1 mRNA, complete cds

AAATTCAAAAAATCCTCACTCTATCCCCCTCTCCTCTTTTCTCATCATGCCTTCTTCTATTCTATCTTGCCAC  
TCTCTCTTCACTCTCTTTTTCTCTTTTCTCCCCGACCCTGCTCTCGGCCGCAAACCTGGCAGCCCTCCTCCAG  
CAACAGCCCTTAACTCTCGAGTACCACAAGGGTTCTTCTCAAAGGCAATATCACCATCAACTTTATTTGGTAC  
GGCCAATTCACATCCTCACAGCGCTCTAATCCTCGATTTCATTCAATCTTTAACCTATTCTCGAGCTCCCCAC  
CATCCGCTCTCTCTGGTGGAAGACGACCGAGAATTACAAAGCGGGACCTCCAATCTGTAGTCGGAAAAACA  
GATACTTCACGAGTCTTACACTTTGGGGAAAAATCTGAACAACCTGCATCTTAGAGCTTTAGCGATGAAGGTG  
AACCAGTTGAATTCGTTGAACTTAGTGCTAACGGCGAAGGATGTGGCCGTAGATGGATTCTGCCGAAGCCGG  
TGCGGGACTCATGGCTCGGTTTCGGTGGGTGCGGAGCAGGGCAAGAACGGCATATATGTGGGTGGAACTC  
AGAATCTCAATGTCCTGGGTACTGTGCTTGGCCGTTCCATCAGCCTATTTACGGTCTCAGACGCCGCCGTTGA  
TCGCCCCTAACGGCGATGTTGGTGTGATGGAATGATCATCAATTTGGCCACCGTACTTGCAGGAAGTGTGAC  
GAACCCTTTAAACGACGGGTACTATCAGGGACCACCGACGGCGCCGCTAGAAGCTGTTTCTGCTTGCACCCGG  
TTATTCGGGTCCGGAGCGTATCCGGGTACCCAGGTAAGGTTCTGGTTGACAAGGTGACCGGAGCTAGTTTCA  
ATGCCTACGGCGTCAATGGACGGAAGTTTCTACTACCGGCAATGTGGGACCCGAAGTCGTCTGCATGTAAGA  
CGTTGGTGTGACGTGGCAGACGAGGACGACACGTGGCAGTGGAGACTCTTATCTGTGCTCTTCTTTTTGCTTT  
GTAAATATATAATACATAAAATGTGTCAGAAATGTGATCCACGAAAAATGGGCTTGGTTGCCGAATGGTTGGCT  
AGATGGATGAAACGTTGTCGTTTAGGTTGTGGTGATTGTAAATTCGCATTTTGAAAAATGGAGGAAAAGAG  
ATAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAGAAGGGAGAAGGAGAAACAATGAATAATGTAACTTTATTTAAAGAAAA  
AAAAGAAAGGAATTTTAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_643 NM\_104950|Arabidopsis thaliana transferase (AT1G62730) mRNA, complete cds

ATTGCACTCTATCGTCTCTTGAATTTCTCTCAAGTTTTCTTCATCACTGATCTCAATTTCTCACTCTTCGTCTCT  
CAGCCGGTCTCTCGATTTCTGTTGCTCAAGAGCCATCCATCTTTCGCTCTCTTACCATTGCCATCTCTCTGT  
CTGTTCTTCAAGTGTGGGTGTCGTTTGTGAGATGAATAATGAAGTTTGGTTTTTCTGATCTGTGAGGTGGAG  
TGACATTTGGAATGTGATGAATGGAACTTTCGCATCCAGTTCCTTACGTGCTGCGTTTTCGCACTGTGTACAGC  
AAGTGCGAAGCTATGACTACCATCACTACCTCTGCCTCCTCGAACTTCCCCCTACTATGAGAAAGGCTGCATTT  
GCACTCCGAGCATTTAATGTTGAAACATCGAGAGCCATGGATGTTGCTACTGATCCCAGGATAGGTCTTATGC  
GACTTGTGTGGTGGCAGGAAGCTATTGACAAAATATATGCTAGTAAAAAGATTGAACATCCAATAGCGCAAG  
CCCTTTCATCTGTGATATCGGAGAACAAAATTAGCAAATATGGCTGAAAAGGTCGGTTGAGGCTCGGATTAA  
TGATGCCAGAAGGGAGGACACCGACATTCCAACAACCATGATGAACTAGAGAAATATGCCGAAGATACTGC  
ATCAACACTACTCTACATGACCCTTCAAGCTGGTGGCATTAGGTGACAACAGCCGATCATGCCGCATCTCATA  
TTGGTAAGGCCAGCGCCTGCTCTCGTCGCTGAAGTCATTACCATATCATGCTACTCGAAATCGCCATTTTTCT  
TACATTCCTGTTAAAGTGGCCGAAAATCACGGTTTGTGGCAAAGCAGGGAGTGCATTTTGAGATACGCTTGG  
GTTCAAGAGAGCGCCTATGTGATGCAGTTTTTGAGATGGCTTCAGTAGCGAATGCTCATTTGCAAAAAGCTCG  
AGACTTGGCTGGGACGGTGCCGAGGGAGGCTCTGCCTGTGCTTCTGCAGGCCGTGCCAGCTCAGGTTCTTT  
GGATTCTTTAAGGAAAGTACAGTTTGATGTTTTTGACCCAAGATTACAACGTGGAGTTTTGGGTGTTTCTCCTT  
TGTGGTTTTCAATGAGATTGAAGTGGTCTTCTTGGAGGGGAAAATACTAACAATATTTTCTTACTCTAGGGA  
AGATTTTATTGTTTATCCTGTATTTTCTCGAGAGCAAGTACTAATCTTAAATTTTGATCTCATCAAATTGAGTT  
ATAGATTTTATAAAACATGACATTAGTACTTTCAATCGATAATTTATTACTACCATCATGATTTGCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_644 NM\_116866|Arabidopsis thaliana ATCSLC12 (CELLULOSE-SYNTHASE LIKE C12);  
cellulose synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATCSLC12) mRNA, complete cds

TGGTGGGTGGTTGGAAAGGACCACCGTTGAGGACATGGATATCGCCGTTCTGTGCTCATCTTCATGGATGGAA  
ATTCATATTCCTAAACGATGTCGAGTGCCAGTGTGAGCTACCAGAATCTTATGAAGCTTATAGAAAACAACAA  
CATAGATGGCATTCTGGTCCAATGCAATTGTTTCGCCTTTGTTTGCCTGCTGTTATTTCGATCAAAAGATTAGTATA  
TGGAAGAAGTTCAACTTGATCTTCCTCTTCTTTTGTCTCAGAAAGTTGATTTTGCCTTCTATTCTTTCACACTTT  
TCTGCATAATTCTCCCAATGACAATGTTTGTTCTGAGGCCGAGCTACCCGCTTGGGTGCTTTGCTATATCCCTG  
CAACCATGTCATTTCTAAACATCCTGCCTGCCCCAAAATCCTTCCCTTTCATTGTCCCTTACCTCCTTTTTGAGAA  
CACCATGTCAGTCACTAAGTTCAATGCCATGATCTCAGGCTTGTCCAGCTCGGTAGTGCCTATGAATGGGTTG  
TTACAAAGAAATCTGGCCGTTCTCAGAGGGCGATCTTGCTCCTTGGTAGAGAGAGAGAAAAAGCATCAGA  
GAGGGGCTTCAGCACCCGACCTAGAAGAGCTGAAAGAAGAAATTCAGAAGCAAGAGAAGAAAGCTGCTTTA  
CGAAAGAAGCACAAACAGAATATACACAAAAGAGCTCGCATTAGCTTTCCTCCTCCTAACCGCATCCGCACGGA  
GCCTTCTGTCTGCACAAGGTATCCATTTCTACTTCTTGCTGTTCCAGGGGATCTCATTCTGCTGGTTCGGTTTGG  
ACTTGATCGGCGAACAGATAGGTTGATTTGTAAAAATGGAAGAACTATGTAGGACAAAAAGAAAACAAGAAA  
ATCAGTAGAGAAAAACAATGGTGGAATGGGAAAAAGACACAACAACATGGAATACTTGAAAGAAAA  
AAGAAATTTGTGTAGTGAAAGATGAAGAAAGCCTCAGAAAATGGTTCAACAATAGAATATGTCAGCAATTCCT  
TGAGTGAAATGTCAAGTCCAATTTACCCCAAATACTGTCAAGAGAGAGCATTATATGGACACAAGCAAAAAAC  
ATAATATTGGAGAGAGACGCTTATTTCAAATGGCGATGCTCTTCCAATGTATGTATGTAGGCCTTTTTTTTTTTT  
TTCTTCTTCTTTGCCTCATAATGTTGTTTTATTGTTTTGTTTTCAATACTTTTGTAAGAAAAATTTGAACAT  
CAAAAACCTCAAAAACAAGGAAATTAGTCAACTGTTGGAATTGACAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_645 AL161593|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 89

ATCCATTTTCGCTCGCTAACAAACGCAAACCTCAATTCTCACACAATCTCAAACCACAGCATCAATCGGCGGCA  
ATGGTTTCTTCTCCATGGGGAAAACCGGCGCTTGGGCCCTCGATTCTGAGGGACACGAAGCTCAACTCCTTA  
AAGAACAGGAACAGCAGAAACAACCTGAACTCAGCCTCGATTTCCCCTCCCTCAACGACGCCTTAGCCACCAA  
GCAGAAGAAGAAAGGCCAACTCTCTCATTAGCCGAGTTCAACACCTATGTAACCTACCGATTGAGATCTGAG  
GATTTTATGGAATACCCACCGGCCCTCGCCAACGGACGGCGGAGGAGCTCGACCGGAACAGGCTCGGTGGT  
GGGTTTCAGGAATTATGGTTGCAATGGTTCTTATGAAAGGAATAATAGGTATTCTAATGCGGATGATTTCGTCTA  
ATTCGAAGTGGGGTTCTTCTAGGGTTTCTGATGAGAATCGGAGGAGTAGTAATGGGTCTAATAGAGCGGATT  
CGAGTAAGGAATTTACATCTTCTAGAGCTGATGAGGTTGATAATTGGGCTTTAACTAAGAAGCCCATGGCTGG  
GAATGGATTGAGAGAAGGGAGAGAGGATTAGGGTTTTCGGATTGCAATCGTCGAAAGCCGATGAATCAG  
AGAGTTGGGTTTCTAATAAGAGCAATATTCCGTCCGGTGGAAGGAGATTTGACAGAGAGCGACGAGGAGGG  
TTCACAGCGAGCGGCGGCGGGGCAGATTGAGACAATTGGGGGAGGAAGAAAGAGGAAGGTAATGCCGGTG  
GCGTCATTGGTAGTCGGCCAAAGCTTAGTCTACAGCCACGTACGTTGCCGTTGGCGATGGGAAATCGTCGG  
AGATATCAGCGACAGCAGCGAGGTTCCAAGAGTTGCAACCCATTTGGAGCAGCGAGGCCGAGGGAAGAGGTA  
CTAGCCGAGAAGGGACATGACTGGAAAAAGCTTGACGAGCAGCTAGAGCCGAAGATTAAGGAGGTGTCAGT  
GGAGGAGAAGACAGAAAAATCTAACGCCATTTCTTTAGGAAAAGGAGCTTTGACAATGGAAATAGCCGGGC  
TGCTGAGGACAGAACAGAGAAGAGCTGGAGAAAACCGGAGTCGCCACCGCCACAGGAGTCTCCGGAATCTC  
GTCCCGAAAGTGAGAGGAAAATGTAAATGGAGATTGCGACGGCAAACGCGAACACGACGGGGACGAGAA  
TGGAGCTTGATGAATGTGATGTAAACTGAGAGATCGAAGTTTTGGGGTGACGACAACATTCTCTAATGTTG  
TTATCTTTATAATTTTGCCAATGAGAAACAATTTTGATGTGTTCACTATAATGTCT

>trans\_c\_646 NM\_124481|Arabidopsis thaliana CRL (CRUMPLED LEAF) (CRL) mRNA, complete cds

ACGGCCGTTCTTTGTGTATATATCGAGAGAGATTGAAGAGAAGGAAAGATCCCGCCTTGATGTGGCGAAGTT  
TCACAAACGACGCCCAATTTTGGTAATGGGAAGTGAGGGAGTATTGGGTTCTTCAATTTGACGGCACTA

ATTTAACGCTCACCTCCTAATTTCTCTCCCATTTGCGCGTCGCTTCCAACGTTTTTCTTTTTTTTTGTTCTTACTTC  
TCTCTGTCCGCCGATTCTTGGCTCTACTCTTTGGAGCTCGATTTTGTGCTTCGAATCATTTGGGGGAACCTGAA  
GAAGATTAGGGATGATGGGTGTTTGAGAACTGAGGAAGGGAAGCTATGGGTACCAATCCAATGATAATAAC  
AACTCAGTAGGATGGAACAGAGCTGGGGGTTTGATAATGAAGACTTTGGTACTCGTTGGAGGTGCCCTTTTG  
CTTAAACGCCTTACCAAGTCCACAACGCGATGGGATCATGCTCGCTTTGTATCTCAGTCCCTTTCTGGCGAGAA  
GTTTTCGAAGGAGCAAGCAGCTAGGGATCCTGATAATTACTTCAATATTAGAATGATTACGTGCCCTGCAGCA  
GAAATGGTGGATGGTTCCACGGTGTATACTTGAACAAGCTTTCTCCAGAACTCCTCAGAAACCTTTTCGCCA  
GAGATTTTATACGGTGAAGCCTTGTTTCGAAAGAGATGAAATGTGATGTGGAGCTAAGCTCATATGCCATTTCG  
GAAATGGAGGAGTACAAGAACTTTTGTGATCGGACAAAAGACCAACGTCCTCTTCTGAAGAAATTGTTGGG  
GACATTGCAGAGCATTTGACTACTTTGCATCTTAAGCGTTGCGATCGTGGAAAACGTTGCTTGTATGAAGGAT  
CAACTCCCCCTGGTGGTTTTCAAATTCATGGAATGGAGCATCCTATTGTACTTCCGAAATTGCTATCCTAAAG  
AACAATGAAGTACATACCTGGGAAAGGGGTACGACGAAGATGGAAACCAGGTTTGGGGAACAAAAGAAGG  
ACCTTACGAATTCAAGCCAGTTCAGCCTCCAGTCTCAAAGACATGTTTTCTCCATTAAATTTCTCTCAGCCGTC  
CATGGAGAAAAGAATACTAGAGGGTTCATTTGTCTTGCAATAACAGTCACCTAATAATTTTTCTTATCTAATG  
TAAATTTCCATCACCTTTCTCTCTAAATAAGATCTTATATGTGCTTGCATGTTTTGTCTCTCTCGTTTGTCTT  
TGGTCAAATGTTTTTCATGCGTATTATTACAGTTGAAAGTGCTGTCGAATTCTTGAAAGCAAGCAAAATGCACG  
CCAATGCTCACTCTTCTAGACNAA

>trans\_c\_647 NM\_127085|Arabidopsis thaliana UNC-50 family protein (AT2G15240) mRNA,  
complete cds

AACATTTGAGGAGAGAGAGAAGAGTGTAGAGGGGGGAGAGAGAGAGAGGGGTCATTTCCACCTTCTTCGCC  
CGTTTTCTGAAACTCGTCGACGGAGAAGAGGAGAGATAGTTTGTTTCGGAGAATTCTCAGATCTCAGACCAAAT  
TACTGGCTATACAACAATTCAACTTTCGCCGGTGAAACTACAACGCTCAATTTGTACCAACACAGAGATGTTGC  
CCACAGCTTCAGAGGGCGCTCCTCGTCTCTACATCTCGAACTAATCCCATGTATCTACAGTACCTTCGTCGA  
ATTGTCAAGTGGCAACAAATGGACATCGAATATACATTCTGGCAAATGCTTCATCTCTGCACGTCACCAAAAGT  
TGTCTATCAGCATACCAAGTATCACAAGCAAATAAGAATCAGTGGGCTCGTGATGATCCTGCTTTTGTGTGA  
TCTGCAGTCTTCTTTGGCTGTTGCAACCCTGGCTTACTGTGCTGCATATGATCATAGTGCTGCACATGCCTCTT  
TTGTAGTTATTTCTGTACTGATCTTCCATTTGCTAATAACTGGAGCGATTTTGGCAACTTGTTGTTGGTTACTAA  
CCAATGCTTACCTTCGAGAAGAGACACCAGGCAGTCATGTAGTTGAGCAACGGGTTGAATGGCTCTACGCATT  
TGATGTGCACTGCAATTCTTTCTTCCCAATGTTTGTTTTGCTTACGTGATCCATTACTTTATCTCACCGCTTCTG  
GTAGCCCATGGCTTCATTCCATTATTGCTATCAAATTTGCTTTTCATGATTGGCGCTTCGTATTACCATTATGTCA  
ATTTTTAGGTTATGACGTACTGCCATTTTTGGAGAAAACACTACATTCTTCTTTATCCAATTGGTGTGGTCTTTG  
TCCTTACTCCAATCTTTATACTGATCGGCTTCAACCTTCAAGATATTTTCATGAACATGTACTTTAGTCAGAACTT  
ATAATCTCTCGACGTCCGTATTCGACTCCAGCTTGCTTATCTTGAGGCAGGACGATTGATAGATCAAAAGAGAT  
TTCATCCACACAAAGTTACTAATGACTGCATTTATTTTCACTTGATCTTGAAAGAAAACGAGAAATGTCCGTTT  
GGGTCGTTAAAGCCTCAGTGGCTAATTTTTCCGGCCTTTGAACGGAGATATCATCAGGAATGGTAGGGTAGG  
ATGTTGGTATCTTGTGCGTCACGGCTGCAAGTGAGGTGATGCGGCTGAATTTTTGATGAAATAGATCTGTTTG  
AAAGGAATGATTTTTACAATATACATTTGTTTCTGCAGTTTAAATATATATACTCCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_648 NM\_124536|Arabidopsis thaliana band 7 family protein (AT5G51570) mRNA,  
complete cds

AGCGATCGTAATCTATCGTGCCGGAGTCAGCGGGTTTTCAAGTCTACGGAAGTCAGCGGCGAGGTTTTGCGG  
AGAAGGCGGAGAGAGTTTCCGATGGGGAATACGAATTGTGTGTTGTTGGGTGCGTGGAGCAATCAAGTGT

GGGGTGGTGAAAGATGGGGAAGGTTTGAAAAATTGGCTCAGCCTGGGCTCCATTTCTTCAACCTATTGCT  
GGCGAGTGCCTCGCCGGTACCCTCTCCACCAGAATTTCTCCCTCGATGTTGCGATTGAGACCAAGACCAAGG  
ACAATGTCTTTGTGCAACTGCTGTGTTCTATTAGTACCGAGTCGTCAAAGAAAATGCTGATGATGATTTTAT  
GAGTTGCAAAATCCTCAAGAACAAATTCAAGCTTACGTGTTTGATGTGGTTCGTGCTGTTGTTCCAAAAATGAA  
TTTGATGAACCTATTTGAACAAAAGGTTGAAGTTGCTAAAGCTGTATCCGAGGAACCTGAGAAGGTGATGGG  
AGATTATGGATACAGTATAGAGCACATTCTAATGGTCGATATAATACCAGATGCTTCTGTGCGCAGGGCAATG  
AATGAAATTAATGCAGCTCAAAGGCTTCAACTTGCTAGTGTGTACAAAGGCCGAAGCAGAGAAGGTGCTCCTA  
GTAAAAAAGGCAGAAGCCGAAGCCGAAGCAAAATACCTGGGCGGTGTTGGTGTGGCTAGACAGAGGCAAGC  
GATCACAGATGGTTTGAGAGAAAACATCTTGAACCTTCTCTATAANGGTGGAAGGCACTTCAGCCAAAGAGG  
TCATGGATCTGATTTTAATCACTCAATATTTTGACACCATCAAAGACCTTGGAAATTCCTCAAGAACACAAC  
GTATTCATACCTCACGGGCCAGGCCATGTTAGAGATATCAGTGGCCAAATACGCAACGGCATGATGGAGGCT  
GCTGCGAGCGCCAGGCCAGGGTCACAAATGATGAGGTGAACATTGATTTACTTCAATGATTCATCAGACACC  
ATGTATATGTGCTTCTTCTTCTCCACAACCTTTGAAAAAATTGTTCTTTATATGTGACGAGGGTGTATAAAAATA  
TAACGATGTGCAAAGTCGATATACTTGTGTTTGGTTTGTGCATAGAGGGTTCAATAAGCTGGAAAAATGTATCT  
CCTGATATAGAGATTTTTTATCACTACTTGATATCCCTATTTACAAATTAAAATGTTCTGTAATTGTCTTGATTT  
CTTCGCACCATTATGCCTGAGACAAGAGTTTCATGGCCATGGCCATGGCCATGGATTGATAAATAAAATTTTT  
GTATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_649 GQ925907|Solanum lycopersicum heat shock protein binding protein mRNA,  
complete cds

ACTCATTCAAAATTTAACTACACTTCCCTCTTCTCCTCTTTAATGGCGTCCGTCGCTACTGCTGGATTTCATC  
GCACGATCTTCTCTTCTTCTCTCTCTCTCTGTATTGCAATACGAATCGTCCGAAGAAGAATCGGACTTCC  
TCTAATCAACTTAGGGTTTCTTGTTCTTCTTCTTCTTCCGTCGCCGATCCTTATCGAACTCTTCGGATTCAACCCG  
GTGCTCTGAATCCGAAGTCAAAAAAGCCTTCCGACATCTCGCTCTTCAGTATCATCCTGATGTTTGTAGAGGG  
AGTAATTGTGGCGTACAGTTTCATCAAATCAACGAAGCTTACGATATTGTGATGAATAACTTAAGAGGTATAT  
CAACGCCAATAGAGACATATGAAACAATATATGATGAAGGGATTGATGAACCGATGAGAGGAATGGGGGAT  
CCAGATTGGGACTTATGGGAAGAATGGATGGGATGGGAAGGAGCAGGAATTCGTGATTATTCATCTCATATT  
AATCCCTATATTTAAACCCAAAAACAAAAAGTTAAAAATCAGTTATGAGTTGTTATAGAATTGGTCTTTAAT  
CTATCAACATCAGCAACAACCAACGGTTGTGATGATTTGGTTTGGCTTGTATATATGGTGGGAAAAGAGGGG  
AGGTTGAAAATTGGTATTAATTCATTATTGTGTGTACCCTTTTTTCAAGAGGTGTTTGTGTACATATGGTCAA  
GAACAGAGCCTTTTGGGTCTTTTAATAATATGAAAAGGCTTTGAAGAATGGCCTATCAAAGTTGTGGTGGGAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCCCAAACTTTATCGATCCCCCAACCCCAAGGGGGGGGCC  
GGTACCCATTTCCCCCTAAAGGGAGTCAATTACCCGCGCCACGGGCCGCTTTTTAAACCTCGGGACGGG  
AAAAACCTGGCTTTCCCAATTTAACCCCTTTGCAACAAATCCCCTTTTCCCAGTGGGGGAAAAAACAAAA  
GGCCCCCCCCATTCCCCCTTCCCAAATTTGCGCACCTGAAGGGGAAAGGGAACCCCCCTGTAGCGGCCCA  
TTAACGCGGGGGGGGGGGGGGTTACCCGCACCGGGACCCTAACATTTGCCAGCGCCCTAGCCCCCCTCCT  
TTCCTTTTCTTCTTCTTCTTCTCGCCACTTCGCCGTTTTCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGCTCCTTTTAG  
GGTTCCAATTTAGGGTTTTACGGCCCCTC

>trans\_c\_650 NM\_100722|Arabidopsis thaliana CPNIFS (CHLOROPLASTIC NIFS-LIKE CYSTEINE  
DESULFURASE); cysteine desulfurase/ selenocysteine lyase/ transaminase (CPNIFS) mRNA, complete  
cds

CTTTTCGATTCTCAAAAACCATAGAGGATAATGGAAGGTATGGTTCTGAAGCTCCCATCCTTCCATTCCCAATTT  
CAATTCAGCTCATGAACCTAATCGTTGTATTTCTTGTTTCTCTCCACCCTTCGTGCTTCTCTTCTCTCTCTCT  
CCGCTTCGGTAATCCCAGATTTTCTCTCCCTTGTCAGTTTCTGCTTCTGCTTCCACCGCCAAGGAAACCGACAG  
CTTGATCTCAACTCTCTTCGCTTGGCCACACAACTCGCCCCGATTTCCCATCCTCCATCAGGAAATAAATGG  
CTCCAAGCTTGTCTACTTAGACAACGCTGCCACTTCTCAGAAACCAATTTCTGTGTTGAATGCTTGCAGAATTA  
CTATGAGGCTTACAACCTCAAATGTGCATCGTGGCATACTCTTTGAGTGCGAAAGCAACTGATGAGTATGAG  
CGGGCAAGGAAGAAAAGTTGCATCCTTTATCAATGCTGGAGATGCTAAAGAGATCATTTTTACCAGGAATGCAA  
CTGAAGCTATCAATCTAGTGGCTTATTCTTGGGGTCTAGCGAATCTGAAATCGGAAGATGAGATCATACTTAC  
GGTTGCTGAACATCATAGTGCCATTGTTCTTGGCAACTGTAGCTGAAAGGACCGGTGCTGTTCTGAAGTTT  
GTAAGTTTAGGTGAACATGATGTCCAAACTTAAAGGACTTCAAGGAAATGTTTTCAACAAAAACGAAGCTTG  
TGTTACCCATCATGTCTCAAATGTACTAGCTTCTGTTCTTCCAATTGAAGAAATAGTTGGCTTGGCACATCGTT  
TTGGGGCAAAAGTGCTCGTAGATGCATGTCAGAGTGTTCCGCATATGGTTGTCAACGTCCAGGCGCTTGATGC  
TGACTTTCTCGTTGCTTCTTCTCACAAGATGTGTGGGCCTACAGGCATCGGATTCTTGATGGAAAGATTGACC  
TGCTGTCTGCAATGCCTCCATTCTTAGGTGGTGGAGAGATGATCTCAGATGTATTTCTTGACCATTCCACGTTT  
GCACAACCACCTTCCAGATTTGAAGCTGGGACGCCGCAATTGGAGAGGCAATTGTTTGGGAGCTGCTATT  
GATTATTTATCTGGGATCGGAATGACAAAAATTCATAGTTATGAAGAAGAATTGGCAAATTATCTATATGAAA  
ATCTTCGTGCGGTCCCTAACATTCCGATATATGGGCCAGCTCCACAGCACATGTTCAACGTGCTGCGCTGTGT  
TCTTTCAATATTGGAGACATTCATCCAACAGACATCGCAACATTTCTCGATCAACAGCATGGTGTAGCCATCAG  
ATCAGGACATCACTGTGC

>trans\_c\_651 BT005335|Arabidopsis thaliana At4g15450 mRNA, complete cds

AATGGGGTGTTTCAGCTTTCGCCCCTCCAAATCTCAAGCCTCCATGAAGCCCTCTAACTCCATTCAATCTCCTCT  
GAGAAATCCCGAACCAAAAAGCTCAAACAAGAAGTACTTTTACAGATACAAGGATGTAGAGTTCAATTAATG  
GATGGAGGAGAAGCTCTAGAAGTGGCAATGGAGAGTTTAACTCGAAAGAATCTTGAAGACGAAGTTTCC  
CTCGCAACAATTGTAAAAGTTGGCGACCATCTTCAATGGCCTCTAACTAGAGATGAGCCTGTAGTGAACTTA  
ACTCATTGAACTATCTGTTTTTATTGCCAATGAAAGATGGTGATCCTTTAAGCTACGGAGTGACATTTTTGGAG  
CAGAATAGCAGCAGTTTGAAGTCTGCTGGATTGTTTTTGAAGGACAAATCTTGCTTCTCTCGTCGTCGTCGTC  
ATGTAATGCGCCGAATAATAAGAGCATGATTAATTGGAAGGAGTATGCGCCGAAGATTGATGATTATAATAA  
CATTTTGGCCAAGGCAATTGCTGAAGGAACTGGGCAGATTGTGCAGGGGATTTTCAAATGTAGTAATAGTTAT  
GCCAATCAGGTTAACAAAGGAGGTGAAATGATTCTTAATAGTCTCCAGTTGCAAGTGTAGAAAGATCAGGA  
AGTTCTCTTAGTGCCACCAAAAATCAACAAAAGCTTAAACGGGTAAAGAAAAATGTCAAAGATGACAGAGAAG  
CTGAGTAAATCCATGCTGGACATGGTTGGAGTAGCTTCAGGATCAATGATGGGTCTGTGATGAAATCCCAAG  
CAGGAAGAGCCTTCTTTGCCATGGTTCCAGGGCAAGTGCTGTTGGCATCATTAGATGCAGTCAACAAGATAAT  
GGATGCAGCAGAAGCAGCAGAAAAGCAAGCACTTATGGCAACAACACAAGCCACAACAAGAATGGTGTCAA  
ACAAATTTGGTGAAAGTGACGGGGAAGCAACTGGGGATGTTCTTGCAACAGCAGGCCATTGTGCAAAATACTG  
CTTGGAATGTTTTCAAATAGGAAGGCCATTAATCCAGCTTCTTCTGTTTCTGCTGGAGCCCTCAACAATGCT  
GCAAAAAGTAGAACTTTTAGCCACAAAAATGGATGAACTCTCCCTAATATACCTAAGAATATTGTTTTAATA  
TTCTCCAACCATCGTTTGTTCAAATGACTTCGAATCGTGTATCTAGGATTTGATAACGTTGTTTTAAGTTTCCTT  
AGCAATCAAATGTAATATGCTAGTCTTGTGAAAGACTAGCCAATGCCTGTGTAATACTAGTTCTGATGTTTAGT  
GAAATCTCGATGTATAAAATATTTAATCTTTG

>trans\_c\_652 NM\_115408|Arabidopsis thaliana RBL (REBELOTE) (RBL) mRNA, complete cds

AGCCAATTCTGCATAAACACATGCAATTTCTGGGGGACTCCTTCGTTGAGTTATGCTCTCTTGATGTCCATAGA  
TCTACTACTAGGGCCAAGTTTTCAATCCGGCAGCTCACAAAGATACTACATCAGGGTTTACGAACGAAGAAAA



AAGAAGCAGTCCAGATGATGCGCAGTTGGCAATTTATCAATTGCATTGATCTCTGGGTCAAGTTCATTGTTTAA  
ATTTCCAGAATTATGATTTGCAAACACTGCTCTACAATGTTATTCAGATTATAAATGGAGTGGCTGTATTGTTTC  
CTGGTCCTAGATATTTACCATTACGAATTAAATGCATTAGTGGTTGAATTATCTTTCCAGATCCTGTGGGATT  
TTATCCCTGTTGCATCTATGGTGTGGATATTTTGAACATATAATTGTCAAGGAGGGCAAGAATCCAGGAGT  
TGTCTTCCACCACTTGTCTGTCCTACAGCTGCCAAAATATTGGTTGAAGTCGCAGAACTTCGTGGAGGAATGTG  
TTTCATCTACCATTGAACTTTTATCATCTCACTTTTCTCAATGGAGTCGCCATATATCCTTCCCTGAACTGTCTAC  
TATTCCACTTATTCAACTCAAGAAGTTTCATGCGACATCTACAACAGAGAATCTCAAGCGTTTGACAAAACGTT  
TTATTGATCAGGTTGAGCAGAATATCGACTTCATTAAGAGAGATGAAATCTCGTTTTACCCAACGA  
TCAGCAAGCTGCTGAATCATTCTTCAGCTAGAGAAATGCAACAGCAACGTTCCATTTATACAATATTACAAAA  
GCATATTGGACAAAGCTGCATCCAAGAGTCTGGCTGTGGATAAAAGTTCCTTGAGCCAACAAAAACAAAA  
AGAAAAGGCAGCAGCATGAAAAAATCAGCAAATTGAATCGGCTGCTAACGGCAACGTACATCCAGAGAAG  
AAAAGAGGGAAAAAGAGGAAAACTTGAGAAGGAACAGGTTTACCTGCCCTTCTCTCTCTCAAATATTAATA  
CTATTTTTATCCCTAGAACTCTCCGTTGGTAAATTCAGAAGATAATTTATCCCATAGATCAGAAGCCATCAGG  
TTAGATACTAGAATTGACTTCTAGCACAAAGAAAGTTGCCATTAGTGAAATTAATGCCGAGAAAATAGTCG  
TGATAGATTAGTTAGAGCATTGAAATTCATTGTCTTTGGGGTAATATCAATTTGTTGGATAATTGAAAGT  
GCAAAATGTTTAGAAGTCTTCTTGATCGTATCTTTATACCAAATTTGCTTGTTGAGTACTCTAAAGGCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_653 GQ870264|Dimocarpus longan transport inhibitor response 1 (TIR1) mRNA,  
complete cds

ATGCTATATGGCTGACTTGAGATCTGAAGTTTTTCGAGCTTAACTGGGGCATTTACAAGCTGCACAGAATTGA  
AGAGTCTGTCAGGATTTTGGGATGTTGTCCCTGCATACCTTCTTCTGTTTATCCAACATGCTCTCGGCTAACAT  
CCTTAACTTAAGCTATGCTACAATTCAATGTGACGATCTTACAAAGCTTATCAGTCAATGTCATAATTTACAGA  
AGCTTTGGGTGCTGGACTTCATTGAGGATTCTGGCCTTGAAGCTGTTGCAGATACCTGCAAAGATCTTAGAGA  
ATTAAGAGTGTTTCCATCCGAACCGTATGGGCAGGAACCAAATGTGTCTTGACAGAACAGGGCCTCGTCTCT  
GTATCTGAAGGTTGCCCAAAGCTCCAATCTGTTCTGTACTTTTGTCTGTCGTCAAATGACAAATGCTGCCTTAGTGAC  
CATTGCCAGGAATCGTCCAAACATGACCAGATTTCTGTCTATGTATTCTGGAGCCACGGACTCCCATTACCTTA  
CGGATCAGCCACTTGATGTAGGTTTTGGGGCAATTGTTGAGTATTGCAAAGATCTCCAGCGCTTTTCCCTTTCT  
GGCCTTCTTACGGATCGATGTTTGAATATATAGGGACTTATGGTAAAAAGCTAGAGATGTTATCTGTGGCAT  
TTGCAGGCGATAGTGATTTAGGTCTTCATCATGTGTTGTCTGGATGTGATAGTCTTCGCAAGCTGGAGATCAG  
GGACTGTCCTTTTGGTGATAAAGCTCTTTAGCCAATGCTGCAAAGCTCGAGACAATGCGATCCCTTTGGATGT  
CTTCTTGCTCAGTGAGTTTTGGAGCATGCAAATTGTTAGCTCAGAAGTTTCCCCAACTCAATGTGCAAGTTATA  
GATGAGAGGGGTCCTCAAATACCAGGCCCCGAAAGTTGTCTGTGGAGAGGTTATATATATACCGAAGTGTC  
GCTGGGCGTCGGTTAGATATGCCTGGTTTTGTGTGGACAATGGACGGAGATGCTCCTCTAAAGCTTACTTGAT  
TCAACTCTCCACCAACCCAAGATGGAAACCTAGTAAGTGAAGGCTCACATAATGGGAATGGAGCTGGTAGT  
AGGTACATGCCCTACATGCTATTTACTGCTCCTAATTGTAGTTCTCTATGTCAATAACATAATTTGCAGCTCTAA  
TTTAAATGGAGTGAGGTACATTTTACAGAGGCAGAGGGAACTCCATTGCCATTATTTTATACTTTGGCTGT  
GAGCTGTGGGGGATGGATAAACAAGCATTTAGTGATCAATAAAAAAGATAGCAAAGTTTCTTCTTCCAAAA  
AAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_654 EF636725|Vitis vinifera Myc2 bHLH protein (Myc2) mRNA, complete cds

AATTGCAGATAGAGGAGAAGGAGGAGCAGGGATTCCCAAGGTTTTTGGGCAGACTTTGAATTCGGGGGAACA  
TGGGTCGTTCTCATTTCCGAGAGAACTGGCGATTAGGAAGATGGATGAGAGATCATGGGAAGCATGTGCCA  
ATGGAGGTAGAATTCAGTTTCAAAGCCCTCGAAATGGCATTGCGAGTCCGAGTTTGGCACACGTACATGGTCT

CAAGCAGGGGAATCATTCCCCTGCAGAAATTTATGTCTCTCCAACCTCCACCAGTAAATAATAATCATGAGCAGC  
TAGTCAGTGGAGTCAGAGATGAATTTGGTCTCAATCCATATCAATCACAAAAGCTGGCCCAAATGCAAATTGA  
TTTCTCGGTAGCAACGTCAAGGCCTTCTGTGATTAACCGTGTAGGAGCTGATTCAGAGCATTGAGATGTAGAG  
CCTCAATGCAAAGAAGAGGGACCTGGCACCGATGAAAGACGACCTCGCAAACGAGGCAGAAAGCCTGCAAA  
TGGCAGGGAGGAGCCACTAAATCACGTTGAGGCAGAAAGGCAACGACGTGAAAAGTTGAACCAGCGTTCT  
ATGCTTTACGAGCTGTTGTGCCCAATATCTCCAAAATGGACAAAGCTTCACTGCTGGGAGATGCCATTGCTTAC  
ATTAACGAACTTCAAGAAAAAGTGAAGATAATGGAATTTGAACGTGAGAAAATCCAGCCTCACCTCAAGTGAG  
GCAACACCTTCGGAAGGGAACCCAGAAATTGAAAATAAAGATCAATTCCTAGATGTAGAGATTGATGTCGAG  
GCTGCCCATGATGAAGTCATTGTGAAGGTTAGCTGCCCATTAGAGTCACATCCTGCATCAAGAGTTATCAAGG  
CAATGAGAGATGCTCAGATCAATGTTATTGATTCAAATTTCTCTGAAGCAAATGATAAAGTTTTGCACACGTTT  
GTCATCAAGTCTCCTGGATCCGAGCAGTTGACGAAGGAACAGCTGATAGCTGCATTTTCCCGGGACTCAACTT  
CGTTACATCCTCTATCAACGTTGGGTAGCACAAGAACTACAGTAACATAGAGTGGATACATAGGTTTCGTTAG  
TATGTAGTGAGAAGAGCCCAACTGAAAGCTTCTTCAGAAGTTTTGATTACAGCAGGTATTATTCTTACAGGA  
ATTACACTTCCAGTGAGAAGTAGGGAGATAACTATTTATTATTAACCAAGTAGGAGAGCAGAATTTATGTTGT  
TTATAGTACACATTGTTATTATTACTGTTATGTCATAATGAAGTATTCTTGCAACATGATTTAAATCTGTAA  
GTTAGGGGAGTTTTTCTTTGGGTCTAGTCAACTGTT

>trans\_c\_655 NM\_129348|Arabidopsis thaliana emb1513 (embryo defective 1513); copper ion  
transmembrane transporter (emb1513) mRNA, complete cds

ATCTCGGCGCCACCTCCTCCATCAATTCACAGTTTTGCTACTTTCGTCGGTCTGGCATTAGGGCTCTCTATTGC  
CACTTTGATTTCTTCAGCTTCGAAGTATCAACGAAGAAATGCCTATTCTCCAAACTTCCCTTCAATTTCAATCCC  
TCTTCGTCCGCCCTTATTCTCCTTCTCTCAGTCTCTAACTGGTTCAAACACCTCTCATACCTTCCAAATCGGATG  
CCGATCGTCACAAAGACGACAACGCTTATTCGAATGGGCGGAGGTCCTAGAACTTATCCCGGTGGAGTGTCG  
AAGTGGAATGGAAGCGCATGCAGGCCAAGAAAGCTAAGCAGCTGCTTAAGGCCCGGTTGTGCCGTGAACG  
CCAGATATACGAGATGCGTAAGCGGGCTGAGCTTAAGGCGGCTGTATCCGAGCTGGAGAGACCGTGGGAGG  
TTGTGGAGAAGGCTCCCAATTTGTTCTCCGTTGGCGCCGATGAACAGGTGAAGGTTTTGGCGGATAGGTTCCA  
AAGACCTGGTGGGTTGATTTGTGGACGAAAGAGATGGGCCTCAATTGTTTGAGACGGTTGACGAACTACC  
TTCTGCAAGGTTTTTCCCTAAAGGGGTGGTTCACAGTGTAAGGCCATATAGAAGTATTACTGCGTCGGAAAGT  
TCGTTGAGTTTGATTGCGAAGTTGGAAATGAAATTGCAGCTAGTTTTAGGAAGATAATTTTAGGACTCACC  
GGAGGTCTTCTAACCGGAAATTGAGAAGTTTTTCTGTGGATAAAGAAGAAGATAACACAAATTACTCAGATTA  
CTCGGATACAGAGGGTCTTATCCGAGGCATTCTCTGCACCATCAAATAGTAATGGTACAAAAGGAAATATA  
TACGAGGAAAGAACCAGGAATCGAAGAAGTGAAGAAACCTGAAGCCTTCTAAGAGAGGGTTGAATCCAGG  
AAAAATGGGTTGGATAGAAGACAAAGAGTCCCTGGTTTTTCAGGCGCACAAATGGAAATACACAGTATGGAAG  
AGGCAAGGATATCAGGCGATCCAGGGGTTACATTCTGAAGTTTATGATATGAGTTTGGAGCAAGATGGGAG  
TTACAGATTCCAGCCTATGAAAAGTCAGTCAACCTGAACGATATGACCCAAGTTAAATCTCGAGTGGAGTCAT  
TTTAGTATTCCAATCACATTGGCTGAAGATGAAGATTTCAATTTGGCTTAGTAGAATTGCTGCAGCTGAACTGG  
AATGGCATCCAAATGGTGTTTTTGGCTGATATCTGGTTAGCTGACTGAGTTGATGCTTTTCAAAGTATGTATG  
GTATACTTTCTCACTTCAGCATATCTTATGTA

>trans\_c\_656 AY026759|Arabidopsis thaliana protein kinase AtSIK mRNA, complete cds

ATATGAAGAAATATCTGCTGCTCGCCATAATTTTTCTGCTGAATCTTGTTTCAGAAAGTCTATCTTCTTAAT  
ATATAGGGCTTCTTTGGAGATGACACTTCAACTCAAAGAAGTTTGAAGCCACTATTACTTTCCGTCATCCATC  
CAATCAGGGTTTTAGGGAATTTGTTTCTGAGGTTAGTACTCTGACATCTTGCAACATCCAAACCTCTGTAAAT  
GCTTGGCTTTCATGGCCACGAGGGTTCGGGGCAGAGAATGCTAGTGACGAGAGGCTCTTTCATGGAAGCTT

AGATCGTCTATTGTATGGGAGGTCAGATGGGCCACCTATTGACTGGAATACAAGAATAAAGATTGCATTATGT  
GCTGCACAAGGTCTGACTTTCTTGCATGAAGAAGGACCTTTTCAGGCAATGTACAACGAATTTTCGACTGCCA  
ACATACAGATTGACAAGGATTTTAGTGCTAAGCTTTCTGGATATGGTTGTGTTGGACAAATTCCTACAACCGAA  
ACAGAGATCTCTAACAATTCAGTGGGATCGGCATATCTGTCAATGGAGACTTTGGAGAGGGGGGCTGCTTACTC  
CGAAGAGCAACGTTTGGAGTTTCGGAATTGTTCTTCTAGAATTGCTAACCGCACGAAGAAATCTTGATTCCCGT  
TACCCAAAAGAAGAGAGGAACTTAGTTAAGTGGAGCAGACCGTTCCTAGCAGATGATGGTCGATTGTCGTTG  
ATCATGGATCCTCAATTAAGGCGCTTTCCCGACCAAGGCAGCCAGGACAGTGGCTGACATTGCTCAAAAAT  
GTCTTCAGAAGGATCCCTCAGAAAGACCCACAATGAGAAATGTAGTTGAGCATCTGAAAATCATCAAAAATCT  
AAAGCAATCTAGCCGATTCCCTCTACAAGAACCCATTGCCGCATCCCCTGCAAAACAGATGCTAAGATCACCAA  
GCCTTGATGGGATCATTACACCAGCAGCAGCCAGATTAAGTTTCTCACCTTCTCCACCTTCTGGAATCCACCCA  
TCCCTTTCACCTGGAGGGAAAAATTCCTCTCTACACTCCACCCCGTTATGCTCGACCCTCTCCTTCGAGGAT  
TTCGATAGACAAGAAAGGCGAAAAATCATCCGCATCAGCCCTTCGAAGACCTCGAATCGAAGGATACTGATATT  
CTAAATTTATACTATTTGTTTATTATTTATTAACCTTTTCTTCTTTGTTTTCTTCTATGGTCTTTTGGTGATTGATTC  
AACACAATGTACAGCAGATGGAAGAGAAAAAACCCACCATAAATATATGCTTATTTTTGAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_657 XM\_002306471|Populus trichocarpa porin/voltage-dependent anion-selective  
channel protein, mRNA

ATTTGCGAGGGTTTTTGAATTCCTCATCGTGTAACCCCTCATTTCTTGTAAGAACCCGGAATTTCCC  
TTCAATCTTTAAACCCTAAGACCTGCAAGATGGCCGGAAGGTCCCGAACTCTTCTCCGACATAGGCAAGA  
AAGCTAGAGACTTGCTTTTGAAGGATTATAGCAATGAACAGAAGTTACCGTCGCTTCTTTCCGACATTGGA  
GTGGGTCTCAACTCAACTGTGACCAAACGGGGAGGTCTTACTCAGGGGATGTGGCAGCACAATACAAGCAA  
AAGAATGCTGTTCTTCATTTAAATTTGACACAGAATCAAATATCTCCTCAGTCCTCACAGTTACTGATATTCTG  
CCATCCACACATGTCATTGCTTCACTGAGACTCCCAATTACAACCTCTGGCAAGTTGGAGGCTCAATATTTCCA  
TGAGCATGCTACATTTACTACAGCCTTTGCTTTGGACAAGTCTCCTTCAGTTGATATTTAGCGACCATTGGGA  
CACCCACATTGCTTTGGAGCTGAAGCTAGTTTTTAAACAAATCTGGTTATTTTGCAAAATATAATGCTGGG  
GTGAGCGTAACAAAGGCAGATTCCAATGCATCGGCAATATTGGCTGATAAAGGAGACTCTTAAGAGTGGA  
TATTTGCACCTTTTCGAACAGTTGAATGGGGGAGCTGTTGTGGGAGAAATCAGCAGAAAGTTCTCTACCAATG  
AGAATACATTGACGGTGGGATGTTTCATATGTGCTCAACTCTCAAACAGCTGTGAAAGCAAACTTAACAACCA  
TGGCAATCTCGGGGCTCTTTGCAGCATCAGCTGACACAAAAGTCTTTCCTAACTATATCTGGTGCCTTTCACA  
CCAATGCTTTGACAAATTATCCAAGTTTGATTGACGCTACTTTGAAGCCTTGAAATATCAAAAGGATTTAGA  
CGGGGCTGAAGCTCAAACATTAGTAAGCTACCATCTGTTTGTGTTGTCTTTCAGAATATAAAACATCTTCAGTA  
GTCATAGAATTCTTTGCTCTCATTTTTTTTTTTTTTTTTTGAATTTGCTTGGGCAAAAATTAAGGA  
ATCCTGAAAATTTGAAAAATTTCCCTTCCACACATTCCATTGGGGAAAAAATTTGGAATGGAAAA  
GGAATTCATCCTTGGGAATTGTTACCACCAAATGGTTGGCCTGATGGAATAAGGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCAACCCGGCCCCCAAAAGCT  
TATCCCTGCCCCAACCCCC

>trans\_c\_658 NM\_001053124|Oryza sativa Japonica Group Os02g0290300 (Os02g0290300)  
mRNA, complete cds

GTGGAATTCATGCTTCACTTACTTCGTTAATTCCTACCAGTGCTAGCCAAAGCAGAGTTGGTAGGAGATCTAGT  
TCAAGACACCGTTCTATGCGTTCTCGTGTGCCTGTGCCTGTGAGTGGTTCAGATGAAGGTGGTAGTATGAGTA  
ACTCAATTCCTGATGAAAGTGATCCACAGCCTATTGTCTAGTAGAATTCAATCTGAGCTTGCTGCCTCTTTGGCA  
GCTGTAGCAGCTGCTGAGTTGCCTTGACTGTGAACTCAGGATATGGTCACATGATGTTAAAAATCCTTGTG

CTCCACTGGATGATGAAAGATGTCGGTTAATAATTCCGCATGCTGTTCTTTGTAGTGAAATGGGTGCCCACTTT  
TCACCTTGTGGGAGATTTTTGGCAGCATGTGTGGCATGCATGTTGCCACATATGGAAGCTGATCCGGGATTCC  
AAAGCCATGCTAATAGTGATGCAACTGGTGCTGCAACATCACCTACACGACACCCAATTTCTGCTCAGCAAGT  
CATGTATGAGCTTCGGATATACTCTTTGGAGGAGGCAACGTTCCGGCGTGGTACTAGCATCTCGAGCCATAAGA  
GCTGCCCATTTGTCTAACATCTATACAGTTCTCTCCACATCAGAACATCTATTACTTGCTTACGGCCGCCGACAT  
AGTTCACTTCTTAAGAGTGTTGTTGTAGATGGAGAGACAACTGTGCCCATATACACTATACTTGAGGTTTACAG  
AGTTTCTAACATGGAACCTTGTGAGGGTTCTTCCAAGTGCCGAGGATGAGGTAAATGTGGCATGCTTTCATCCC  
TCCGTGGGAGGTGGTGTAGTCTACGGGACTAAGGAGGGGAAGTTGAGAATCCTCAATACGACAGTTCCCAA  
GCCATTAATCATTCAACGTATGGTTTTCTCGATGAAAATATGCTTGAGGTTCCAACGTATGCCCTAGAATGCTA  
GTAATTGTCGATCATAACATGAGATTCGACGCAGCTTGACTGGGTGGATGTGCTTGCCTGTGCTTTCAATTA  
GGCTCAGAGCAAAGCTGAACAGATCGATCCATCATTTACTCAGTATTACTGCAAATCTACCAGAGGCATGTCA  
AAATTCAGTTTGGCGCACCATTGTTGTACAAGCTTGATTTTTCTGTTTGAATTTAAAAACTGTTATAGTGCTT  
ACTCAATTTGATCTTTACCTGGAATTACATATACAGATATTAAGAAAAAGAAAAAGCAAAAT  
TTCAAGGTCGTGATTATTGTATGTGCTTTGTTTTGTCTTAATTCAGACTTTTGATTTAAATTTGAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_659 XM\_002314590|Populus trichocarpa aminophospholipid ATPase, mRNA

TATGGCTAGTGATTTTGCATTGCCAGTTTCGTTTTCTCACAGATTTACTTCTTGTGCATGGACGATGGTCATA  
TCTTCGAATATGCAAGTTGTACATACTTCTTTACAAGAATCTTACGTTCACTTTAACTCAGTTTTGGTTTACC  
TTCCAAACTGGATTTTCTGTCAAAGATTTTACGACGATTGGTTCCAGTCATTGTATAATGTCATATTCACCGCGC  
TACCTGTAATAATTGTTGGACTATTTGACAAGGATGTCAGTGCTTCCCTTTCCAAAAAGTACCCTGAAGTCTAC  
AGAGAGGGAATAAGAAATGTGTTTTCAAGTGGAGAGTTGTGACAACTGGGCTTTCTTTCCATCTACCAAT  
CTTTAGTCTTTTACTATTTTGTAAACCGCTTCTAGTTCCAGTAGTCAATCGTCATCAGGCAAGGTGTTTGGTCTGT  
GGGATATCAGCACGATGACTTTCACTTGCGTTGTCGTGACTGTGAATTTGCGGCTGCTTATGATCTGTAATTCA  
ATTACTCGGTGGCACTACATTACGGTTGGGGGAAGCATTTTAGCATGGTTCCTATTTATTTTCTTATATTCCGGT  
ATTATGACACCACATGATAGGCAGGAAAATGTATATTTGTCATATATGTCTTAATGAGTACATTATATTTTAC  
GTAGCTGTTATCCTCGTTCCCGTTGTTGCACTTCTTTGTGATTTGCTTACCAAGGCCTTCAGAGATGGTTTTTC  
CCCTACGATTATCAGATAGTACAAGAAATACATAGACATGAACCCGAAGGTAGAGGTACTGCAGGATTGCTT  
GAAATTCAAAACCATCTTACGCCGGAAGAGGCAAGAAGCTACGCCATGTCTCAACTCCCTCGAGAATTATCAA  
AGCATACTGGCTTTGCTTTGCACTCACCTGGCTACGAGTCATTTTTGCGGCACAGCTTGGTATTTATGCCCCAC  
AGAAGGCATGGGATGTTGCTAGGAGAGCCAGTGTGAAGTCAAGACCAAAGATTAGGGAAAAGAAGTAAGGT  
AGATTTGATCATTATTGTACAAAATTTTTCATATCAAAGATGAACCTCAGAAAAATCATTAGTGTTAGATTTTC  
TGTGCCATATTTAGCATTTGATTTTGCAGCATCATACATTTGGTTCTCTCTCCCCATTAGTTGCTTTCTTTT  
CCTTCTGAGAGACTAGTGTTATTAGGAATGTAATGGGTATATATATTGATATGTCGATGTAATTTTACTACCA  
AATGAAGTTGTAATTTTTTACTGTTGGGTTCTAGCTAACCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_660 AF419585|Arabidopsis thaliana AT5g14250/F18O22\_40 mRNA, complete cds

GACTTGACAAGAAAGAAAGAAAGGAGTGATCGATTTGATCGAATATTTCTCCTCTCAAAGTTACTCTTACGA  
GCCACTGTTTCAGCTCCAGCTTCGATTCCCCCACCATGGGCACGGTTGAAGTTCTTGTTGCACAAATCCAAGG  
CTTGTGCACTACCGCCGGCGATATCTCACGCCTCCATACTTCTCAAGCAATCAGAAGAATACTTACGCGG  
AAACCTCTCGTTTACCTTCCGCACTAGCTCAACTTGATGCTTCCAAACATTCTTTAGCATATCTCTACATTCTAGA  
GGCATGCACTTCTGTACCAATTTTACAAGAGCAATCCAGTTCAATTCTTCTAACGATTTCAAGATTTATCTCTTC  
TTGCAACCCTGAGCAGATTCGTTTAGCACCTGAAAAATTTGTCTCTGTTTGAAGAGGTTTAAAGATCAAGTTA

TACAAGAGGCTCCAATTAGAGGGGTGGCTCCACTTCTTACTGCTGTTAGAAAACCTCCAGACCTCTTCAGAACAT  
TTAACCACCTTTACATCCGGAGTTTCTTCTTCTGCTTATCAGCCAAATCCTACAAAACCTGGCAGATCCATATTA  
GATAATGATATTCTCGAGGTGATCAACCAAGAGACCTGTTTCTTTATTGTTATTATGGGGGGATGATATGCAT  
AGGACTAAAGTTATTTAGAAAAGCACTTGAGCTTCTTCATAATGTTGTAAGTCTCCAATGCAATCAATGAATG  
CTATAGCTGTTGAAGCATACAAAAAATACATTTTAGTCTCTCTCATTTATAATGGACAATTTTCTACCAGTCTCC  
CAAAGTATACTTCTTCAGTAGCACAGAGAAATTTAAAAAACTTCTGTCAGCCCTACATTGAATTGGCAAATAGT  
TATAGCACAGGAAATGTGGAGGAATTAGACACCGTTTTTCAAACAAACAGGCAGAAATTTGAAAGTGACAAC  
AATCTTGGACTTGTAAGCAGGCTGTATCTTCTATGTACAAGCGCAACATTCAGAGATTGACACAGACGTACTT  
GACCCTCTCTCTCAAGATATAGCCAGCACTGTAACTCAACAGCCCTAAGGAAGCTGAAATGCATGTCCTAC  
AAATGATCCAGGATGGTGAGATCTTTGCAACAATTAATCAGAAGGATGGAATGGTTAGATTTCTAGAGGATTC  
TGAACAGTACAAATCATGCAGGATGATTGAGCATATCGACTCTTCTATTAGAGGATCATGACACTTTCTAAGA  
AATTGACTGCTATGGATGAAAATATATCCTCTGATCCTCTATATCTAGCATAGGCTGGAAGATAGAGGCAGAG  
ATTTGATTACG

>trans\_c\_661 XM\_002326149|Populus trichocarpa EIN2 -like protein, nramp transporter, mRNA

TTTTCCAACATCAAAGTATCCAGGAAACCTTCTCCGAATCTGAAAGGCAATATTATGATCTTTCTCCTTCTGGA  
ACTGGTGAGAATTTAGTGAGTGTATCTAACACAAAGAAATACCATAGCTTGCCGGATATTCACCGTGATCAGC  
ACACATCAGATAAGAGTTCTCAGTGGGATAATGCAACTGTTTATGGAACATCAATTGGTAAAATAACAGCTCG  
TGGAGTGTCTTTGCAAAATCTGGATCAAGATCAGTCGCTCCTTAGCATTGATGAACTATCTCCTGCAAATG  
TCTACAGTGGTGCATTATCACCACAAATGAATCCTCATTGATTCTGGATCTTCTGGCATAGACAGCCTTCT  
GAGCAATTTGGCTTGATAAAAATAGCAACTCCGAGAGTAAAGGAATTGGGAGGCTGCATTCAATTAGTCAA  
GAAGCTTCTTTCGTTGTTAATTCAGAGGCCAGGCTTCTCCAGTCCTTCAGAGACTGCATTGTCAAACCTCTTAA  
ATTGGAAGGATCAGACTGGTTATTTGGGCAAAGTGATGGTACTGACGAGGAACTAATTGACTGTGTAGCTGC  
CAGGGAGAAATTTCTTTATGAAGCTGAGGCAAGGGAGATGGGTGCGGTGGTCCGTATGAAAGAATCTCCTTC  
ATTTTCTCCTGATAGGAGACCAGGTTCTGGAATGAAGAACGATACAAATTTCTCCAACGTTTCTATATCCTCTG  
TACCTCATTGTGGAGAAGGTTGTATTTGGAGATCAGATCTGATTGTAAGTTTGGTGTATGGTGCATTACCCG  
AATTCTGGATCTCTCACTTATGGAAAGTCGGCCTGAACTGTGGGGAAAATATACCTATGTACTCAATCGTCTTC  
AGGGTATTATCGATCCTGCATTTTCGAAGCCTCGTGTACCAATGCCGCCATGCTTCTGCCTTCAAATCCCCAA  
GCATTCCAGCAGAGGTCAAGCCCACAAATTGCAAACGGAATGTTGCCTCCTGCTGCAAAACCTGGCAAGGGA  
AAATGCACCACTGCGGCAATGCTTCTGGATATGGTCAAGGATGTGGAGATAGCCATCTTGGCCGAAAAGGC  
CGAACTGGTACAGCTGCCGGTGACGTAGCTTTCCCAAAGGGGAAGGAGAACTTGGCTTCAGTCTCAAACGC  
TACAAGCGTCGATTATCCAATAAACCAGTTGCCACTCACGAAGTATCATCTATCTCACGCAAGCTTTAGCAAC  
ATCCGTTCTTATAGCTCATAGTATTTACCCAAAAATGGTGATCAAATCACCCAGCTGTTAATTTTGAAAGC  
AGCTCATGTTCCGAACGAGAATGC

>trans\_c\_662 GQ377248|Populus trichocarpa theta class glutathione transferase GSTT1 mRNA,  
complete cds

TGATTAACAAAATATTAATAATACTTAAAGTCCATAGCACTACTTTTCTTGCTTCTTGGTTGAAGGTTTAATC  
CTATTGAAAAAATAGATAATAATAGTGAAATGAAAATGAAGATTAATGTGTGAATTGAAAGCAGGGATGACA  
AAGATCTGATCCAAACATCATCTAAATCCAATCCTATCGCATTGGAAGCGCGCCGAGAAGAAAGTCTCAAT  
CTTGAATTCAGTAGGATCATCATCCTCATTCTAAGACTCATTTCTGTACGCAATCTTCGACAAATCGGAAATA  
TGCGCTTAAAGTCTATGCAGATCGATTGTCACAGCCATCTCGCGCCGTCTCATCTTCTGCAAGGTTAATGGG  
ATTGCTTTTGAGGAGGTGAAGGTAGCCTTGTCCAAATTCGAACACCTTACTCCTGAATTCAAAGAGATCAACCC  
AATGGTAAAGGTTCCCGTCATTGTTGATGGAAGATTTAAGCTGTTGAGAGTCATGCTATTCTTATCTACCTTT

CTTGTGCGTTTCCTGGTGTGGCAGATCACTGGTATCCATCTGATCTTTTCAGGAGGGCTAAAATACATTAGTA  
TTGGATTGGCATCATTCTAATTTACGTAGTGGTGCAGCTCCATTAATATTCAATACTGTTCTAGCACCTTTGTTT  
GGCCGTCTCTGAATCCTCAAGTAGCTGCTGAAGCTGAGAAGATTTTATTCAAGTCGCTTTCAAAAATTGAGTC  
ATTTTGGCTGAAGGGGAATGGGAAATTTTGGCTAGGTGGCTTTAAACCATCCATAGCTGATCTTAGCCTGGTTT  
GTGAAATTATGCACTAGAGCTTTTGGACGAGAAGGATCGGAGTCGTATTCTGGGTCCACACCTGAAAGTGA  
GGGAGTGGGTTGAGAATACTAGAAATGCTACAAACCCACATTTTGATGAGTTTCATAAGGTTCTTCTGAAGCT  
CAAGGAAACCTCCAAAAGCAGCGCTCACTGAAATTGACTTCAAAGATTTGAAGTTTCTTGACACCCAACCGT  
TGTTGGATTTTAGACAGGTTGTCTCATGAAATTAGTTAATTTGCGTATAAGCTGACTCAGATACTCACGGATAT  
AAAAAAAAAACAAGTGAAGTTTTAGATGTCTGCCTTGTTAATGCAATAGAATAAATGTCATGAAAGGGAA  
GGTGTGAAGAATGAGTATCAATGTAAGTAATCCATTGCGTGACTTTTGATATATGGGTAAGAACTTGGTTTAT  
CCAAAAGTCCACAATTTCAATCGTAGATTATACTCATTTTGTACATCTTCAATTATTCGAGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_663 AY196776|Malus xiaojinensis transcription factor Myb1 mRNA, complete cds

CTTCTTCATATCCGCCACGTTTCCTTCTCCACTTGTATGCTTTTCCAAAACCTTTCTCCGTCGCCGTTTCCGCCT  
CCTTCATCGTCCTTGTCTCCACCTGATCATGCGGAGCACCTCTTCTTGTCAACGAATCCGCCGCCGCCGAGA  
CCGGTGGCGGCAGTCCAGGTGAGATCATGCTGTTTGGTGTGAGAGTGGTGGTGGATTGATGAGGAAGAGT  
GTGAGTTTGAACAATCTGTCTCAGTATGAACAACCTCATGATGCCACCGATGTAATCGCAAACGACAATTATA  
AGAACGACCTTGTTCCGTCAATAACAAAGACGATGTTGCCGCTGGTTATGCTTCTGCGGACGATGCTGTTCCC  
AACGCCCCGAGGGAACCGCGAACGTGAACGCAAGCGAGGTGTGCCTTGGACTGAGGAAGAACAAGCTGTT  
TTTAATTGGACTACAACAAGTAGGAAAGGGGGATTGGAGAGGAATCTCTAGGAACCTTGTTAAGACTCGCAC  
TCCAACCTCAGGTCGCTAGCCATGCTCAGAAGTACTTTCTCCGCCGGAGCAATCTTAATCGCCGTCGCCGTAGAT  
CTAGTCTTTTCGATATCACGACGGACACGGTCACGGCTGCTCCAATGGTTGAAGAACCCTTGACGCGTAAAGA  
AATTCCTCTCAATCCCATTCCTTTACTCCATCAACCTTACCTGAAATTTCTAAAAACAAGGCAATCCCAATAAT  
ACAAACTTTGCCAGTTTCATTTGGGCCAACACCATTAGCCACCCCGATCAAGAATCTAATGGAAAACTGTGGTC  
CTAGAGAAGTAAACACACAAAATGATGGATCACTAAAGCTCGCCCCCCCCGATTCCAAAATTTCTCTAATCAA  
ATACGACATGAATCATCATCAGCAGCAGCTTTATCCCTTCGCCTCTCCTTAACACCTGACCAAAGAGAACTTC  
ATCAAGACATTCAACTTTCCAATCCATCCCAAGTTTCAATAATGGTGTGGGATCATAAGTGCTGCATAATGAA  
AGGAAGTTATTAACAATTAGAGACGACAGAAGTTATTAGGTGACTGAATCTGATCCAATCATGTTTCTTGATG  
GCATCTATGTAAATCTAGATTCTTCTTGATGATTTGCTGTTGTTGTCGGTAGCTGGGTACTGACTGAAAATAA  
TGAATGACTAACTATTCTGTCTCTGTGTTAGAAATGAATTTAGTTTGAAGGAAAGAATATCCAAGTTGGATAA  
AATGGGTGGTTGTTGTTGTTGCTGCGATATTGTGAAAAGAAAAGGGAGGGGGGGAAAAAGAGGCAAAATTC  
CCCCTTGTTTTTGTGTATGT

>trans\_c\_664 NM\_001073247|Oryza sativa Japonica Group Os12g0446700 (Os12g0446700)  
mRNA, complete cds

AAAAATAAAGAAGGAAAAATTTCTTAGAAGAACAGTATGGTTAGAAAACCTTCGCTTTGAATTCTGCCAGAAA  
CGATGACTTCGTGTAATTCAGAAAGTTAGGGTTTCATTCCGCGATCTATCACCGACCCGAACCTCACCATACCC  
AATTGCCATGAATTGCGAAGTATGCCAACTCAAAGAACTGGAAGTTGAGCAGTTCGAGATACGCGAAGTTCT  
GCGCTGTATACTACACACAATTGTATTTACCGAGCTTTAGGTCTTGTTTCGGCCCAGAGACATTGATTTGGAGC  
TTTTTGATATTACTTATGTGCAATGTGGAGACATTGAAGTTGAGAAGAAGATCGATGAGAAGATTGAGCAGTT  
CATTAAATTGGGTAGAGAAACACCCAAACAAGAAAAGCCAGATATGTTTATCCTTTTATCAAGAGAAAAATAAA  
CAGGCCTCTTGGTTCACTAACAAAATTGAACGCTTTTATTGGGAACAATGGTATATCAATTTGCATGTGGCCCA  
ACACATAAAAATACATTCTGGCAAGACTCACCAACAGAAAATTCTAGTTGATCCTGGAGAGAGTGGATTGGAT

GAGAGAAGCATCCGCAGGACGACACTGGAAGCTTCTCTTCGTGAGGTGTTGTTTCAAGTAATAAAGTTTGTGA  
ATGAAAAGAAGGATCATGTTCTGCTATACCAAGTCCAGATTGTGGTGTGTTATTTTCCCCTATGAAATAACA  
ATTCCTAGTTCATCAGATTCTGCATTTGGAATGGACATGATCAAGAGGATGTTGCAAACGGACACCCCACTAT  
GCTCAGCTGATTATCAGAATTCTGGAGCCTATACCAAGAATGTTCCACATCTTGTCTTTATAGAAGGTTCCATTT  
CTTTTATATGATCTCTATGGCATATTTAGAGTCATTTGAAAAAGGATTGAATATTGGCGGAGTCGAGGAAAAT  
ATCTGATTTTCCCAACACAATCCTCTATCCATATTCCTCTGATTTTCCCAACACAATCCTCTATCCATATTAACACT  
CTATCCTCTATTTGCGGTTCTTTTTTACACTATCCATTGTGAATATTGACACTAATCAATGTATATACACACATTCA  
ATGTTTCATATTGTTAGTTACTAACCTTAAGATTGTGGAGCAAACAGGGGTTGTAGTAACTAGAAATCATCATT  
GGTGTGTGTATAGATCCTCCTGACTTTTATAAGTTTGTGCCTATCTAGTTTATGTATTATAAACACTTAATCTTG  
TGTTAGAAATAATAATTAAGTATATAGCAACATTTTAAAAAAATTGTAAATATAGTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_665 AB049590|Avicennia marina chpa mRNA for chaperonin-60 alpha subunit, complete  
cds

CTGAAAGAATTGCCAAATTATCTGGTGGTGTGCGGTCATTAAGGTAGGAGCTGCCACGGAGACCGAACTTG  
AAGACAGGAAGCTCCGTATTGAAGATGCAAAGAATGCAACTTTCGCTGCCATAGAGGAAGGGATTGTCCCTG  
GTGGTGGTGTGCTGCTCTGGTCCATCTCTCAACCCTAGTTCCTGCAATCAAGGACAAGCTTGAAGATGCAGAAGA  
GAAGCTAGGTGCCTAGAGCGTCCAAAAGGCATTGGTAGCACCAGCATCCTTAATTGCCCAAAATGCTGGAATT  
GAAGGGGAAGTAGTAGTGGAGAAGATTAAGTCGAGTGACTGGGAAATCGGTTACAATGCAATGACAGACAA  
GTACGAGAATCTAGTGGAGGCCGGTGTATTGACCCAGCCAAGGTCACCAGATGTGCCTTGAGAATGCTGC  
TTCAGTTGCTGGAATGGTCTTAACCACACAGGCCATTGTAGTTGAAAAGCCCCAAACCCAAGGCACCCGTCGCT  
GCTCCACAAGGCCTTACCATTTAATTTCTGAGAATTCTCATCTTCCTTTGTAGGACGTTAAGATAGTCATCATC  
AACACTAGCTTCTGGCGGTAAGGCGCACATTCATCGGAAACAGCGAGACAATAACAAAGATGATGGTAACAC  
TCTGTTATGTGAATGTGCTTTTTTTGTAAGGCTTTCTCAACTTTCGTTAGATATTTGTAAGATTACCGAATCAATT  
GGATCAACTTTTACGAGTTTTTCATTGAAAAGAAATAATTTTGGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGCC  
CCGGACCCCATTTCCCCCAAAGGGGGCCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACGCCGGGAGG  
GGAAAACCCCGGGGTTTCCCAATTAATCCCTTTGAAACAAACCCCCCTTTCCCGGTTGGGGAAAAAAAAA  
AAAGGCCCCCCCCATTCCCCCTCCCCAAATTTGCCCCCGAAAGGGGAAAGGGGCCCCCCCCCTGAAGCGCC  
CCATAAACCGGGGGGGGGGGGGGGGTTACCCCCAGGGGGACCCACCCCTTGCCGGCCCCCAACGCCCCC  
CTTTTCTTTTTTTCCCTTCTTTTCCCCCAGTTCCGCGGGTTTCCCCGCAAAGTTTAAACGGGGGCCCTTT  
TGGGGTCCGAATTAAGGTTTTTACGGCCCCC

>trans\_c\_666 AJ703811|Cucumis sativus partial mRNA for proton-exporting ATPase (ha2 gene)

GTTATCATTAGTGCCGTGTTGACCAGCAGAGCTATCTTCAAAGGATGAAGAACTATACTATTTATGCAGTCTC  
CATCTCTATCCGTATTGTGTTTGGTTTCATGTTGATTGCTCTCATTTGGAGATTTGATTTCTCTCCCTTCATGGTT  
TTGATTATTGCCATCTTGAATGATGGTACAATTATGACAATCTCAAAGGACAGGGTGAAGCCATCTCCATTACC  
TGACAGTTGGAACTAAAGGAGATTTTCGCAACCGGAATAGTACTTGGTGGGTACTTGGCTTTGATGACGGTT  
ATATTCTTTTGGTTAATGGACGGAACCAACTCTTTTCGGATAAATTCGGTGTTAGATCCATCCGTCATAATGTA  
GATGAGATGATGGCTGCTTTGTACCTGCAAGTCAGTATTGTGAGCCAGGCTTTGATTTTGTACTAGATCGCG  
TGGCTGGTCGTATGCTGAGCGACCTGGACTTCTGTTGGTCGGTGCTTTCTTGATTGCACAGCTGGTTGCACAA  
GGTGTGGTGGTATATGCGAACTGGGGATTGCAAAGATCAAGGGAATCGGATGGGGATGGGCCGGTGTTCAT  
CTGGCTTTACAGCATTGTTTTCTATATCCACTCGATATCATGAAGTTTGCTATTCGTTACATATTGAGCGGAAA

GGCATGGCTCAACTTGTTAGAAAACAAGACTGCTTTCACCACCAAGAAAGACTACGGAAAAAGAGGAAAGAGA  
AGCACAATGGGCCCTTGCTCAAAGAACATTACATGGACTTCAACCACCCGAGTCAACAAACATCTTCTCCGAA  
AAGAGCAGCTACAGAGAACTCTCTGAGATTGCCGAGCAAGCTAAGAGACGTGCCGAGATTGCAAGGCTCCG  
GGAGCTGAACACACTCAAGGGACACGTGAGTCCGTGGTGAAGTTGAAGGGACTCGACATTGACACCATTCA  
GCAGCACTACACAGTGTGAGAAAAGTATTATTGCTTCTCATATAAAATGAGAGATTAATGCCCGGGTGATT  
CACTTTGCTGTGCCAAGGAAAGAAAAAGAGAAGTGTGAGAAAGAGACAACAAAACAAACATTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGAAAAAACAAGAAGAGGAAGTTGCTAATTGCCAAACATTTCCAACATACAGAGAGATTGT  
GTGGTGCCCTTTCCTTGTAAATTTTCTAGTTTTTCTTACTCTTTTCTCCATATGTATTGCAATGTTAGTA  
AGATAAAAGAATTCTGTTTGGCTTGCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_667 AY105607|Zea mays PCO107138 mRNA sequence

ACTTTTAAATTTAATCACTTTCTTAAATATTACTATCTGGATCCACACAATCACCATTCTTAGAACAGTTTCGAGA  
CGGGCAAATGAAGGCTTCTCTACTTTTTCTTCTTGCTTGGATGCACTTTAATTTACGCAAAGACGACTAAGG  
ATGTGACTGAGTTACAGATTGGTGTGACGGGTAGGCCAGCATCATGTGACATTCAAGCTCACAAAGGTGATA  
GAATCAAGGTTCACTACCGTGGGAAGCTCACTGATGGGACTGTTTTCGACTCTAGTTTTGAACGGGGTGACCC  
CATTGAGTTTGAGCTAGGCGCTGGTCAAGTAATTAAGGATGGGACCAAGGGTTACTGGGGATGTGCGTTGG  
TGAGAAACGGAACTGAAAATTCCTGCAAAGTTGGGATATGGACCCCAAGGCTCTCCACCAACCATAACAGGT  
GGTGCAACACTCATTTTTGACACTGAGCTTGTCTGTTAATGGGAAACCATCAAGTGGTGAAACTCAAATG  
ATGTTGATGACAGTGAGCTATAGTCAAAGCAACCATTCTACCACTTTCCCCTTTGGGTTTCTTAGATTTACTGAT  
TACCTTATCCATGAAACCTATTAACTTTTAGTTATGGACATTTATGGCAAAAAGGTCTGGTTATGACCTAAGTTT  
CCTCTATATTGAATTATAGAGATACTTGGGCAATTTTTCTCTCAAGTTTTATATCTTCCGTTTGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCCCCCAAAAACTAAACAAAACCCCCAACCCCAAGG  
GGGGGCCCGGAACCAATTCCCCAAAAAGGAGTCGAAATACCCGCCCTCACTGGCCGCCTTTTTAAACCCC  
GGGACGGGAAAAACCTGGGGTTACCCAATTATCCCCTTGCAACAAATCCCCCTTCCCCAACGGGGGAA  
AAAAAAAAAAGCCCCCCCCAATCCCCCTTCCCAAAATTGCCACCCCGAAAGGCAAAGGGACCCCCCTGG  
AACGGCCCAATAAACCCGGCGGGGGGGGGGTTACCCCAACGGGACCCCTAACTTGCCAGCCCCCAACC  
CCCCCCCCTTTCTTTCTTCCCTTCTTTCTCCCCACGTTGCGCGGGTTTCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGGGC  
CCCCTTTAAGGTTCAAATTAGGGCTTACCGCACCCCCACCCCAAAAACCTGAAAAAGGGGAAGGTTCCCG  
TAAGGGGCCATCCCCCTGAAA

>trans\_c\_668 AY103728|Zea mays PCO142212 mRNA sequence

ACATCCACAGAATTTCTCTCAGCTGGGGTTCATAATTTCCGATTGGGGGCGAAGATGATCGAGGTCGTGCT  
CAACGATCGTCTAGGAAAGAAGGTACGTGTGAAGTGCAACGAGGACGATACGATCGGAGACTTGAAGAAGC  
TTGTAGCCACCCAATTGGAACCCGGGCTGAGAAAATCAGGATCCAGAAGTGGTATAACATCTATAAGGATC  
ATATCACTCTTAAGGATTACGAGATTCATGACGGCATGGGGCTGGAACCTATTACAATTGATTACGTATCGCT  
GGTTCGTTTGATGATTAAGATGGATGGAAGCGCGTGTTTTAGACGTTATGTGGATTAATTTTCGATGGATGT  
GGAACGTGGTTATGTCTGTGGTAACGGTGGATATGCAAGTGTCAAACACAGTGCAAACACTTTCTGACATAA  
GGATCCCGTTCTCTTCTTTTATTTCTTGAGATTTATGTATTCATAGAAATATGAAATGGGTACTAGTTTTT  
GAAATCAAGGTATTTCTCTGATGTATGGGTGTTTTCTCTCCGAGTTTGGAAGTCCTTTGGAGAATGTAGG  
CCTTGTAATCTTTGGTCTGCTTAACGAACGCTCAATGTTTTGATGTCCATAACCTGTTTGTGGAATTAGCT  
ACCCTGTGGATGACAACGCGTTCTTCAGAGCATCTGAAATCTTTATGGAGGGAGTTGTTATTTTGAGAAACC  
TACTTAAAGTTTAAACCAGATATTTTGTGCACATCTTAATTCTCTGTTAATTGACTCCTTATTGTAGGGGACTTC



ATCCTTTTTCCCATTATCTTCAATTATCTCCAACTTTTTAAACAAGCATTTTGAAGTTCTATCCCTATGCTGCCTT  
TTACCATTGGTTGTGTGCTTAAAGGGTGCCGGAGTCACGCATAATTGGTGTAGTATTCTCTTCGTTTTAATATT  
AGATCAGGAGGTATCTGTAGTCCTTTCACCAAACCGCGGCCATCCATGAAGCTGATTTAAAGGTTCTTTAAAC  
TTGACAATCAATTTTTGATCCATGATCATTGTTATTGTTTAAATTCATATTATCGGGATATGAATTAGTGTAGTT  
GTCAAATGGTGACCAATAGGAATGAAACAGTTTCAAGTAACTGGAATGCTGAGAGGCGGCCACCAAATGAT  
CTGGTACTTTTTCTCTCCCATCTCTCAGAACCGTTCATGAAATAGTTCTTAAATCTACAGAGAGAATCTCGGCAT  
GGGGCTGGAACCTCTGTTACAATTGATCGTATTGCTGTGAGTTTTTACGGCTTTTTTGAAGTATTCTTGATGTGG  
GCGTATGCG

>trans\_c\_669 NM\_001036466|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein  
(AT2G45720) mRNA, complete cds

AAGTGTCGATCGGGGTTCAAGCGGGACGGATTCAGAGGCAGAGTCGGTTGAAGAATGGCTGCTGCAAGCTC  
AAAAGCTTGTTCTGTGGCCCTGGAGAAGGCTCTGGAGGTTAAGGTGTTTCCCGGGAGGTGGAAGATGATTG  
TTTCAAAGCTTGAGCAGCTTCCATCACGGTTATCGGATTTGTGAACCATCCTTGCTTTTCAAAGAATGTTCTTT  
GCAAGGAGCAATTGCAGGCTGTTTTGAACAGCTTGAAGGAAACCGTTGAATTGGCGAAGCTTTGTGTTAGAG  
AGAAATTTGAAGGCAAGCTTCGGATGCAAAGTGATCTTGACTCGTTGTCTGGGAAATTGGATTTGAAGTTGCG  
TGATTGTGGTCTTCTGATTAAGACAGGCGTACTCGGTGAGGCTACTCTACCTCTACCTTTGTCAGGTTGTTGCT  
CGCAATGGGAATCTACTGACTTTGTCAACATAAGGGAACTGCTTGCCAGGCTGCAGATAGGCCATATGGAGG  
CAAAACATCGAGCTCTTGACAGCCTTGTTGAGATCATCAAAGAGGATAATGATAATGTTTTGTCCGCTTTTGGT  
CGTAATAACGTTGCTGCTTTAGTCCAATTGCTCACTGCAACCTCTCCGTGTATCCGAGAGAAGACCATCAACCT  
AATTTGCCTGCTAGCTGAATCAGGAAGTTGTGAAAATTGGCTTGTTTTCAGAAGGTGTTTGGCACCTCTAATCA  
GACTTGTGAGTCTGGCAGTGCTGTGGCTAAGGAAAAGGCAGTGATTCGCTGCAAAGGTTGTCAATGTCAG  
CTGATACTGCCCCGTGCAATAGTTGGGCATGGTGGGGTTCGACCTCTTATTGAACTCTGCAAGACCGGTGATTC  
TGTATCACAGGCTGCTGCTGCTTGACATTGAAGAACATATCAGCCGTACCTGAGGTTGACAAAACCTTTGGCT  
GAAGAAGGGATCATAAGAGTGATGATCAGTCTCGTAGATTGTGGAATTCTGTTGGGATCGAAAGAGTATGCA  
GCTGAATGCCTACAAAATCTCACTGCTTGCAATGAATCTCTAAGGAGATCGGTCATCTCTGAAGGTGGTCTTCG  
CTGCATATTGGCATATCTTGATGGCCCTCTCCCTCAAGAATCTGCGGTGCGGGCATTGAGGAATTTGGTCAGC  
TCAGTTTCAATGGAACCTCTGTTGTCTCTGGGCTTCTCCCTCGTCTAGTACATGTGCTCAAGTCTGGATCAGTT  
GGTGACAGCAGGCTGCAGCATCAGCAATCTGCAGGGTATGCAGCACACCAGAGATGAAGAAGCTAATAGG  
TGAAGCTGAGTGCATCCCTCTCCTGA

>trans\_c\_670 AB544071|Ipomoea nil InATG8e mRNA for autophagy 8, complete cds

TCAAATCGACACACAATCTTTTGACAATTTCAATACTTTTACAAATCCCATTTCCAATCTTTCTCTAACTTTTCTC  
CCAATTTTTCGCTTTCTTTTTGGTTTCTCGCCGAAAAGTTCACTCCTGATCTCTTCTTCTCGTCGCGGACTC  
TCAGTTTTTTTGTGACTAATGTCTACGAGCTCGTTCAAGCAAGAGCATGATTTTGAAAAGAGACATGCTGAGG  
CAGCCCCGATTAGAGAAAAAATACCCCGACAGAATTCCGGTAATTGTGGAGAAGGCAGAGAGAAGTGATATTC  
CCAACATTGACAAGAAAAAGTATCTAGTGCTGCCGACCTGACTGTTGGCCAATTTGTTTATGTTATCCGAAAA  
AGAATAAAATTGAGTGCAGAAAAGGCAATTTTCATATTCGTGGACAATGTGTTACCGCCAACAGGATCACTGA  
TGTCTGCAATCTATGATGAGAGGAAGGATGAGGATGGGTTTCTCTATGTTACATACAGTGGAGAAAAACACATT  
TGGATGACGTTTACCATAGTATGCAGTTTCTTGCTCCCTCTCTACTTGTGTTATTATCCACAACCCATCGATTATTT  
TCGTTGCTGTTTGTGCCAAATATGCCGTCTCGTGTCTGTAATAAATTGTACAGTCGAAGACAATATATATGTG  
TGAAAAACTTCAATGCCCAAGTCATTTCAACTTGTAATCCCCTTGAATTATATCTAATGAAGTCGTAAATTGTAA  
CCTTAAAGCTTCGATGACCTTGTCGAGAATATGGACGATCAAATTGAAATTCAGTTTATGAAAAAATAAAAAA  
AACTTTATTTCGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCC  
CCCCCCCCAAAAATTTTAAAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCAAAGGGGT  
AAAAAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTAAAAACCGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTCCCCAATTTAA  
CCCCTTTGGAAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCATCCCCCCCCAAAA  
ATTTCCACCCCAAAGGGAAAAGGGACCCCCCTTAGCCCCCAATAAACCGGGGGGGGGGGGGTTTAA  
CCCAAAGGGGGCCCCCTTATTTTTGCGCCCCCTACCCCCCTTTTTTTTTTTTTTCCCTTTTTTTTTCCCCCTGT  
CCCCGGTTTTT

>trans\_c\_671 D31737|Nicotiana tabacum mRNA for protein-serine/threonine kinase, complete  
cds

AGTGGAGAGGAGTAGTCTATCTCATAGAGAATGTGAAATCAAGGGAATTCTCAACATGTCCATAGTATCTTAC  
TACCTCTTTTAAAGTTCATCATTGTTGGATCAGATCTCAACTTTTTTTATTAGACCGAATGTTCAATTTGAGCTTT  
ATGAACCCGATACTATATTAGATAACATACGGTTCATCTCAAACCTAATTAACAATAAAGGAAATAGTTAGTC  
TATCTTATAATATGTTAGGTCCTTTGATATACCTCCATAGGAACGTACACGGGAGGTTAAAAACAGAAGATA  
CCATGTAAAAGAATGAAATCTTAGAGACCAATACAGCATCTAACTAAAGAATAACTTTGGTCTCTCGTGACAT  
AATGCATAATTATATTATATGTGACTTTGGTCATCATTCTGAATATCGGTCGCCATTTGTTACTCATAATTTATA  
TGCACATGTTATAGTTGCTGATTTTGGTCTATCAAAGGAAGAAGTTTTTGATGGCCGGAATTCAGGTCTGAA  
AGGTACATACGGCTACATAGACCCGGTATACATGGCCACAAATAAGTTTACAATGAAGAGCGACATCTATAGT  
TTTGGCATAATCATTTTTGAACTAATCACTGCCATTCATCCACACCAAATTTAGTGGACTATATTAATCTTGTG  
AGTTTTTCTCCATATACACAAATGTTAACCTTGAAGTGATACGGTTTCATGATTTTGAAGTACATTCTCAG  
GCTGGAATGAGCGCCGATGGGATTGATGAAATAATTGACAAACAACTAGCTGGAGAATATAGTCTTGAAGAA  
GCAAGGAAGCTAGCCGAGATCGGTCATAGATGCTTGCATAACGTACCGAGAAAACGTCTCTAATTAGCGAA  
GTTTCACAGGCGATATTGAGGATAAAGCAAAGACGACTTGGGAAAGCTACTAACATGTCTCTTGCTAGCATGG  
ATCTTTCAAGTGCAGTGAGTAGAATTGAGGAACAACAAGTGCAATTGAGTAGAATTGCTACCGCAGTGTGAA  
TCAAATGGTTTTAAATGCTTCCCATCGAAATTTTTTAAATGCTTTCCTTTTGGCCTTCGCCAATCTGGAAGGA  
AAAGAAAAAAACAATGTTATATCCAAGCGCTGTTGTCCATTTTTCCCTAGTAACCTCCCCTAGTAACCTTAGTTACT  
CGGTGAGTGATACAGTGTTTTTGTTATATAAATATCTTATAACTTGAATCGACTCCATGCTAGCATGTGCTCTGT  
CGGGCTATTTTGGATGAGTGCTCAAGTAAATTAGATATGAATGGATTTTGCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_672 NM\_127338|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR)  
family protein (AT2G17845) mRNA, complete cds

TGAGTCGATCAATCATCTTCTTCTCTGTTTCCTTCACCCCAAGTTATGGAGGACCGCCGATCTTCACCTACT  
CATCTTGAGCCTTGGAAGTGCCTTCACGGCAAAGTGGTCATGGTCACCGGAGCCTCCTCCGGCCTCGGCCGTG  
AGTTCTGTCTCGATCTTGCTAAAGCCGGTTGCAGAGTCATCGCCGCCGCACGCCGAATCGATAGGCTCCAATC  
TCTTTGCGACGAAATCAATTGCCTTAATGTCTCTTCATCTTCCCTCCCTAGAGCCATAGCTGTGAGCTCGA  
TATTAGCGCCGATGGAAAAAGCATAGAGAAATCAGTCAAAAATGCTTGGGAGTCCTTCGGCTTCATCGATGCC  
TTAGTGAATAATGCAGGTTTTAGAGGTACTGTGAAGACTTGTCTAGAATTGTCTGAAGAGGAATGGGATCAA  
GTGATGGGAACAAATCTTAAAGGTTCTTGGTTGGTATCAAAGTATGTGTGTGGTCATATGCGTGAATCGAAAC  
GAGGTGGTTCTGTTATCAGTATTTCTCCATTTCTGGTATTGAAAGAGGCCAACTACCTGGTGGTCTTGCCTAT  
GCTGCTTCAAAGGCAGGCATAAACACTTTGACAAAGGTTATGGCTCTTGAGTTAGGGCCATACAATATCAGAG  
TAAATTCTATAGCGCCTGGGCTTTTCAAATCTGAGATTACAGAGGGTCTCATGCAAAAAGATTGGCTAAATACT  
GTAGCCTACAAAACCTACCCCTTAAAGGACATTTGGTACTTCAGATCCAGCATTAAACAACACTCATTGATATCT  
GATCGACGATTCTTCTCGATATGTCTCGGGCAACATTTACATAGTTGATACTGGAGCTACATTACCTGGTTTCC

CAATTTCTCATCTCTTTGAATATTTATGCTGCAGTTGATGATTTGCTTAGAATTGTCAGATCATCTACTTCATGA  
AAATTTGAAAGGTAATTTCTTTGAACTTTACACCAATTTTGCACCCTCAGGATTCTCAATTACTTTAGAGCTACT  
TTAAACAATGTTCACTTCGTTAAAAATAAAAAATAAAAAATTGTGTGTTAGGTGTCTTAAAAAGTTTG  
GTGCATTATTTAATTGAAATTCATTGTCTTTTTTACCCCAATTTATTTATTTGGACTCTTAACTATCCCATGT  
GAAGAATCATAGAAACAGAGAAGAAACGATCTAAAAACAAAATAATAAAACAATAAGATTCTTGCATATACA  
ATAAAAGAAAAGCTATGAGAATATATAAACTATGTGAGCTTTGTTAATAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_673 HM124891|Cucumis sativus isolate Csa006756 cultivar 9110Gt TIR-NBS-LRR class  
resistance protein gene, complete cds

CAGTTAAAGTTATAAAATTAATTTTCTAAACCTACAGAGTCGGAAATCGATTTCGAGAGCTTTTGAAAAAGTA  
AAAAAGTTGGTAGTACTGGATATCCGCAATGCCACATCTTCAAGAAGTAGTGATCTGGAGTATGTACCAAGTA  
GCTTAAGGTGGATGAATTGGCCTCATTTTCTTTTTCATCTTTCCTTCAACCTACACAATGGATAACCTTATGG  
AATTGAAATTGCCATATAGTCCATCAAACATTTTGGGAAAGCATTTCATGTGTGGTGGATGCTTGAAAAAAT  
TAATTTTAGAGGCTCCAAGTTTTTAGTGGAATTCAGATTTATCTATTGCAATAAACCTCGAAGAGTTGGATC  
TTTTAGGATGTGTAATTTAGTAAAGATTCATGAATCAGTTGGATCTCTTAGTAAGCTCGTCGAGTTTTATCTTT  
CTAGCAATATTAAGGGCTTTGAGCAGTTTCCATCGTACCTCAAGTTGAAATCCCTTAAACTTTGTTTTGTACA  
GATGTAGAATAGATGAATGGTGTCTCAATTTAGTGAAGAAATGGATAGCCTAGAAGTATTGTTGATTACAA  
TAGTACTGTAATTAATCAGCTATCTCCAACAATTGGATATCTCACTAGCCTAAAAAAATTGTGGATCATAAAGT  
GCAAGGAGCTCAAACTCTTCCAAGTACAATTTATCGTTAAGTAATCTTACTTGTGAGGGTCTTAGGATAT  
AATTTTCAACCTTCTTCTTTAAATGATCCTTCTTACCTTCTTATTTCCCTACCTAACATCAATAGAGCTTTT  
TGATTGGAAGATAACAAATTTGGATTTCTAGAAACAATGGTTCATGTTGCCCTTTTCTGAAAGAGTTGGACT  
TATCTAGAAACAATTTGTAAACTACCCTCATGTATTACTAGTTTTAAGTCCTTGATATATCTTCTACAAGTTT  
TTGTAAGTTGCTTGAAGAAATTCAAAGGTTCTAAAAGGAGTACTTTATATGAATGCTACAGAGAGCGCATCA  
TTGGCCAGATTTCTGACAACATACTTGATTTTCATATCTTGTATGATAATTATGCGAAAAGGAGATATAACCC  
TAACGTGATCAAAGAACTCAGATTAATGAATTGTGATATTCCAGATTGGTGCCAGTACAAGAGTACAAACAAT  
TCAATAACGTTTCTTCTCCAGCTAATCATCCAACCTGGGAAAGGAAGGTTTCTATTGCTTCTTGTGTCAAATTA  
CAAGGTATTGACCAGGCATTTAAGGTCAATTCTAGAGTGTTTATCAACGATTTTGATGTACATCTCGGCCAATT  
TT

>trans\_c\_674 GQ466080|Morus alba rubber elongation factor mRNA, complete cds

AGAGGATTCTAGAACCGTCCATCACTCGGATCCTTTCATCACGAACTTAACCCCTAAGGAACAGTCAACGACTT  
CCGTTTGACTTTCTAAATCTACGTTTCCCCTGAAAGCTTCCGATTTTGCATCAATGGGCCGTCCGTATTCACCGA  
CTCCATTGCCGCGTTCTTCTCTCTATAAATTCGATCTCCCCCTTTCCCTTTCCATCCATTTGTATCGCCAAC  
GATTTCCATTCTAATTCTCCGATCACATCTTCTTCTTCCATTTCCGATCTCAATTCCTCTCTTTCTTTTTCGC  
TATGGCTGATTCCGATCATTCTGTCGAGCGCCAAGACATGGCGGTTAGGGCTGACGAGGACAGGCTGAAGTA  
TTTGAATTTGTTCAAACGGCGGCGTTTCGAGCCACCGAGTGTTTCTTTAATGTTTATGGGTACGCGAAGGAC  
AGGTCCGGTCCGTTGAAGCCC GGCGTTGAGACTGTTGAGGGCACTGTAAAGTCCGTTGTTGGTCCTTTGTGTA  
ACAAGTTCCATGGCGTTCCGATTGAGGTTCTTAAATTCGTGATCGCAAGGTGGACGAGTCAGTGACGAAGAT  
CGACCGCCACGTTCTCCAACGTCAAGCATGCCTCATCACAAGCCATGTCTGCTGCACAGCAGGCACCTGAA  
GTCGCTCGAAACGTTGCCTCTGAGGTCCGACGCTCTGGCCTCAAAGACTCCGTGTCTGGGATTGTGAAATCTG  
TGTATGCCAAGTACGAGCCAAGCGCAAAGCAACTCTACTCCAAATACGAGCCCAAGGCCGAGCAGTGCGCAG  
CTTCCGCATGGCACAAGCTCAACCAGCTCCCTGTCTTCCCCACGGTTGCACAGGCCATCTTGCCAACAGCAGCT  
TACTGCACGGAGAAATACAACGAGACCGTTCGAACCTCCGCCAAGAAAGGATACAAGGTCTCTTCATATCTAC

CATTGGTCCCTACTGAGAGGATTGCCAAAGTGTTGAGCAAGAACGGAGTTGAGATGGAGCCCTTGGTGAATT  
AAGAGCCAAACCTGCTTCTTTTTTTCTATTACGATATTGTAAGAAAATAACACATTATGAATGTTTGAGAACTT  
ATTCAGTGTGGCTATATCACGTTTTGTTTGTTAATATCTCAAGTTATATATGAAGTTGTACTTGTATTGCTTGA  
TGCGGTAGTCATCGACGGATCTACGTAGGGGGGCTGGAGGGGTACGTTACTCCTCAATTTGCCAGTTTTGTAT  
TCTTAATATATGTTTTGAATGCCTTTAATAATATTTACACAACAAATCGACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_675 XM\_002306146|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T1.1), mRNA

ATGGTGGTTGTGGTTCTACTACAGCAAAACAAGGCGCTGATTCTACTTCCTTCAATCGAATAAATGCCCCCTTT  
ATTACTCTTCTGATTCTTCATTTCCCTTCAATCTTATCCTTTCCTTCATTTTCATTACCCTCCGTTTCCTTTTTGT  
CTTAACCTCGAACAGATCGCTATTTCTTCTTTGGGAACAAAATTAATCGCCCCCTCTCTCTCTTTGTGGGGTTTT  
TCTTCTTCTCCTCCTGCGTTCTTTGGTCTGTAATGGAGAAGAGAGGCTATTCTTAAAAGGGATTCTTCCTTTTT  
CTTTCTTCCATCTGTTCCCTTTGATTTCTTTGAAATTTGGTGATTTGGGTCAGTTTGAAAACGGATTTTAGAT  
GGGGTTGCTTAGTAGTATACTGGGTTTCTCGGTTTTGGCTTGGGAACCTTCGATTGGGCTTGTGGCTGGATAT  
TACATGTTTATCTATTTTCAGCCATCAGATGTCAAGGACCCTGTTGTTGCGCCCTTTGGTTGAGCAAGATACTGC  
CTCATTGTTGCGGATGATGCCAGAAATACCTCTATGGGTGAAAAATCCTGATTATGATCGTGTTGACTGGCTTA  
ACAAATTCCTTGAAATTATGTGGCCTTACTTGGACAAGGCCATTTGCAAGACTGTGAGGAACATAGCAAAGCC  
TATTATTGCAGAACAAATTCCAAAATACAAAATTGATGCTGTTGAATTTGACACTCTAACATTGGGCTGCTTAC  
CGCCAACTTTACAAGGAATGAAAGTTTATATGACTGATGATAAAGAGCTGATCATGGAGCCGTGTATGAAGT  
GGGCGGGAAATCCAAACGTTACTGTTTCAGTGAAAGCATTTGGATTGAAAGCGACAGTTCAGGTGGTTGATTT  
GCAAGTGTTTGCTATTCCGCGTATCACCTTAAAGCCTTTGGTCCCAAACCTTCCTTGCTTTGCCAAAATATTTGT  
GTCTCTCATAGATTTGTTGAGGAACTAATAAAATATCAAGTTGCCAATATGTATCTATGGCCCAAGACCCTTGA  
AGTACAGATAATGGACCCTGCGAAAGCCATGAAGAAACCTGTTGGCATCCTTCATGTGAAGGTTTTGAGAGC  
ACTAAAGCTTAAAAAGAAAGATCTATTTGGCGCATCAGATCCATATGTAAAACTGAAGCTCACTGAAGACAAG  
CTTCCTTCTAAGAAAACAAGCGTGAAACACACTAATTTGAACCCAGTATGGAATGAGGAGTTTACTTTTGTGCT  
GAAAGATCCCGAAACTCAAGCTTTGAAATGATTCTTTATGATTGGGAGCAGGTTGGCAAGCACGATAAGAT  
GGA

>trans\_c\_676 EU880297|Populus trichocarpa protection of telomeres 1 protein mRNA, complete  
cds

AAAACCAAAAGGTTAATATTATTGGCGTAATCATCGAGTTCGGTTTTCCCTAGGCGAACCAATGGCACCGATTG  
CTTTTGTGCTGTGAAAATTGTTGACCACTCTCATATAAACCCTGGAATTACTGCGAATATTTTTGCTGAAAGTCT  
GGAAAAGCTTCCCATGTTGCTTCTGCTGGAGATATCATTGAACTTTCGCATGTTACGATGAAAACCTCATCAGG  
GAGAAATATATGCCGTCTTCAACAAGAAGTTTTCTTCATTTGCTTTGTACGAGGGAAAAGATGGATCGGGCTT  
TCTACCATATGATGTATCACAAAATTTGATCCAGAGATCTTGATAAAAAGTTTATTTCAGAGTCTGAGGGATT  
GGCTGGTTAATTTTGAACCTGATGAAGGATCAACCAACTTTTCTTTCGTTAGGGATTTAAAGGAAAGTGAACAT  
GTAAATTTGATCTGCAAGATTGTCTACATGTGTGAGTCTAATAACGAGACTCTCGCTTTTGCTTGGGATGGAAC  
TGATTCTCAACCAATCAGTATTGACACCAGGTTAGCGAATGAAATTGATTATGCACATCAGTCCGGACCATTGA  
TTTTGCCGAGAGATATATTATGTATACTACCTCCCGTTGGCTCTATCTTGAGGCTGATCTTTGACAAAGGGATT  
GAGAAGCAGAGTTTTTTCATGCTCAACACTGGTAAATGGATGAAATTTGTGAATGTCTTGTGTGAAATGCAAG  
TTGGATCTTCCAAATTGTGGTGACAACATTTTCAAAGCTTCGTTTTACATCAAATGAAGATATTGCCGTCCAAT  
TCCGCCAAAGATCATACGAAGAGCGTTTAGCATCAGCTTTGGGCAGAATTCCTTTTTGGTGCTTTCCTTCGCCC  
TCACCCATTACAGAGGTTGATTACAACAACGAACCGTTTGTACATTGATGGATGTTTTGACATATTCAAAGGT  
GACTGCTAAATTCAAATGTGTAGTTCGAGTCATAGCAATATATCCATTACAGGCCAAGGACTTCGCTCTCCTG

AAGGGACTTACCGGGTTAGGCTGTGCCTAGAAGATCCAACTGCACGAATCCACGCTCTATTATATGCGGAAGA  
TGGAGAGCAATTCTTTGGTGGCTATCCATCCAACGATGCTTTAACAAGGAAACGAAACAAGTTACTTGGGGTT  
TCAGCCAGTGAGAAAAATGAGGCCAGTACAAGAGATCCTCCATGGGTGCAATGCTGCTTAAAATCTTATTACC  
TAAATAACAAGACGTTTTGGGAACCAGACAGTACAGAATATTTGGCACTCGGCTGGAAGTAGAAGATTAAT  
AGATGAAAAAG

>trans\_c\_677 AY197749|Solanum tuberosum UDP-glucose 4-epimerase (StUGE45) mRNA,  
complete cds

ATTCGAAAACTTACGTCCACTGATCTTCACCGATCTAACCTCTCTCTTCTCTCTCTCCTAATTTTAAACACTT  
TTCTGTTTTCAATTTCCCCCTTTATAAAATCACCAACAAGAAAAGAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAATTTGATCTTACC  
GTCGTAGCTGTGGAGTTGCAAGATCGCCGTTTTCTTTGTTCAAGTAACGGTAACCTTCTCTTCAATCAATTTCTCA  
TCAAGCATTATAAATTCATTTTCAATTTCCCGTGATCTCCATCCCAAGCTCTTCCCCAAAAATTCATCCTTCACTT  
CTCGTTTCTCCCTCCGAGCATCATCACTCATGGCGAAGAGCATTGTTGGTCACTGGTGGAGCTGGATACATCGG  
CAGCCACACAGTTCTTCAACTTCTTCTCGGCGGTTACAACGCCGTCGTCGTCGATAACTGGATAACTCCTCCG  
AGATCGCTATTTCGAGAGTCAGAGATCTCGCTGGAGATTTAGGGAAGAATCTCACATTTTACAAGCTTGATT  
GAGGGATAAACCAGCTCTCGAGAAGGTTTTGCTTCGACGAAATTCGATGCTGTCATCCACTTTGCTGGACTTA  
AAGCAGTTGGCGAAAGTGTCAAAAGCCACTGCTCTACTACGACAACAACCTTAATAGGGACAATTGTCCTGTT  
TGAAGTCATGGCTTCCCACGGATGCAAAAAGCTTGTTGTTTTCATCATCAGCCACCGTTTATGGTTGGCCAAAGA  
CAGTCCCTTGACCGAAGAGTTCCCTCTGTCTGCAACAAACCCTTATGGACGAACCAAGCTTTTCATCGAAGAA  
ATTTGCCGCGATATTTACCGATCAGATTCAGATTGGAAAATCATATTGCTTAGATACTTCAATCCAGTAGGTGC  
TCATCCAGTGGAGACATTGGTGAAGACCCCCGTGGAATCCCAACAACCTTGATGCCCTTTGTGCAACAAGTT  
GCTGTTGGCAGACGGCCAGCCTTGACAGTTTTCGGATCCGACTACTCTACCACGGATGGAACCGGGGTTCTGTG  
ACTACATTCATGTTGTTGATTTAGCTGATGGACATATTGCTGCATTGCGCAAAGTGGATGATCCCAGCATAGGC  
TGTGAGGTTTACAATCTGGAACTGGAAAGGGTACTTCAGTTTTGGAGATGGTTTCAGCATTTGAAAAAGCGT  
CTGGAAAGAAAATTCCTTGTGATGGCGGATAGACGACCGGGAGACGCCGAAGTCGTATATGCCGAAACAG  
ATAAAGCAGAGAAGGAGCTGAAATGGAAGGCAAAGTATGGAATTGAAGAAATGTGCAGAGATCAGTGGAAC  
TGGGCAAGC

>trans\_c\_678 NM\_106005|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G73460) mRNA,  
complete cds

TACGACTATATGATTACTTCTACTATCGGGAGCATTGTTAATTGTATGTGAACTTCTGAAGCAAACCTGTATG  
AGTTTCACAAATTTAATAGAGAATCAGGAGGAGAAGTCTACTTCACCATGCCAAGATTGCAGTCAATTACAAT  
TCAATGCTTGAGGGCACTTCAGTTTTTACATGGTCTTGATCTCATACATTGCGACTTAAAGCCTGAAAATATATT  
GGTGAAAAGTTACAGTAGATGTGAGGTGAAAGTTATTGATCTCGGAAGCAGTTGTTTTGAGACAGATCATCTC  
TGCTCTTATGTTCAATCCCGATCCTATCGTGCCCCAGAGGTTATCTTGGGACTTCCATATGATAAGAAGATAGA  
CATATGGTCTCTTGGCTGTATCTTGACAGAACTTTGTAAGTGGCAATGTTCTGTTCCAAAATGATTCACCTGCTAC  
ATTACTTGACGTGTGATTGGAATTATAAGTCCTATTGATCAAAGTATGCTTGCTAAGGGACGAGATACATAC  
AAGTACTTTACCAAGAATCATATGCTGTATGAGCGAAATCAGGAGAGCAATAGACTGGAGTATCTAATACCGA  
AAAAGACATCATTAAAGGCATCGATTACCAATGGGGGATCAAGGGTTCATTGACTTTGTTTCTCATCTGCTTGAG  
ATAAATCCCAAGAAACGCCCTTCTGCATCTGAGGCACTGAAACACCCATGGCTATCTTATCCTTATGAACCCAT  
TTCTTCGTGAACGGTCTGGGGTTTTCTTTGGATCTAATAATAAATTACAGCTATCTTCGTGATTGTAGTTTATTG  
GCTTTTCTCAAGCAGGATGGAGCCGCAATGTGATTCATGGTTTAAACATGGTTGGCCTTTCTAACTGATTTTTGA  
AGGGATTTTTGCACTTCAAAATTTCTTCCAATCGAATGAAAGGTTTGTTCAGTTTTTCATGTTGTACCGAACTTT  
TTATCCCCTCACCAAGTTGTGCCCTATTTAACCACAATCAAATGTAGTTTTTGCTGACTTTATGTGTATTCTTG

GGGTTTCTCTATTTTTATCGATTGGAAAGGGGATAATCTTGTTGTACATGTGTGATAATTCTTTAGGTTGTTAG  
CTATATTTTGCAGAAATACTTGCACCCAAATTTGTAGCAAGGGCAGTCAGGATTCAGTATGTTGTGAATGTCTG  
TTAGGTTTTATTAGAACTACTAACTGGGACTTTCCCGCAATCTCTAGGGGGTCTGGTGACTAAAGAATGGAT  
ATTCACGCCGATATTTGAATGTCGCTACAATATCAATCCCATTTTGTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_679 AB554221|Glycine max GmGla mRNA for GIGANTEA, complete cds, cultivar:  
Moshidou Gong 503

ATTGCTTAAATTTTTCTGTATCATTTTGATTTAACTATCATGATTCCTATCCTTGGTAAATTAATAAGCTAAT  
GCTGCCATCAATTTATCGAGATTGTATAACAAAGAAGAATGCCTTTTATCGTGTTGCCAAGATTTGTTGCTAGA  
GGAACATTTTCTTAAAAAATTGAAATATTTCCATGGAAATGGTGCTTGAATTAGTAGCTCAAGTTCCTGGGTT  
TACCTCTGTTGAATGCTTCATGTATTATAGTTACTTACCTCTGTTGAATGCTTCATGTATTATAGTTACTTCTATT  
GCTTTCTGGGATTGTCAGGCTGATAGAGAATTCCAGCCTTGGATTGCTAAAGATGATAACCAAGGGCAAAAG  
ATGTGGAGAATCAATCAGCGGATCATCAAATTGATTGTTGAACTCATGAGGAATCATGATAAACCGGAATCGC  
TAGTAACTTTAGCAAGCGCATCCGACCTTCTTTGCGTGCTACAGATGGAATGTTAGTAGATGGAGAAGCTTG  
CACTTTGCCCCAGCTGGAGCTCCTAGAAGCAACAGCTCGAGCAATTCGACCGGTGCTGGAGTGAGGAGAAATC  
TGGGTTGTCCATCGCGGATGGTCTTGCCAACCTTTGAAGTGTCGTCTACCAGCTACGGTTCGGTGTCTTTCTC  
ATCCAAGTGCACATGTCCGTGCTTGAGTACATCAGTTCTTCGCAATATTTGCAAACCTGGTTCTTATGTCCTTA  
GATCTACACCAAAGAACATAAACGGTGTTACAGTCCATCTTTTCACTTCAACAGGGAAGCCATTAACCTG  
GAAAGATGACCTTGAAAAGTGCTTAACTTGGGAAGCTCATAGTCGACTTGTAAACCGGAATGCCATTGAGGTT  
CTTCATGTTGCTGCCAAGGAATTAGGCTGCTCTATTTCTTTGTGATATTAAGTAGGGCATTGGGAGCAAATTTA  
CTCTGACGATGGGCGAGAGGCTTGCATAGAGAAATAGTAAGTATTGATTGATTGAAACAAGCAGTTTCCTAT  
TAGCTACTACTAAGCTTTCTCATTCTGTTTGAGAAATAAACCTCATAATAGTTCCTTATTCTGGCCAGAGGTTCT  
GTACTTTTTTCATATGATGAGATGATCATGTACAGTAACATTATGACAGGGCAACCAAGTTTCTCACCTATCTTG  
TTATCTAGTTGTGTCTGTTTTGTATGTTATAAAAAACCTGTGTTATTTCACTGATTGGTCTACCACATGTAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAGGTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_680 M69038|Potato alpha-glucan phosphorylase type H isozyme mRNA, complete cds

AAGTTAAGCGCATACGAATATAAAAGGCAACTGCTGAATATCTCGGGTGCAATTTATCGATACAAGAAGTT  
AAAGGAAATGAGTCCCGAAGAACCAGGAAGAAACTACTCCAAGGACTATTATGATTCCGAGGAAAAGCATT  
CGCTACATATACAAATGCTAAGCGAATAGTCAAGCTGGTAAATGATGTTGGTGAGTTGTCAACACTGATCCT  
GAGGTCAATAGCTACTTGAAGTTGTATTTGTTCCAAATTACAATGTGTCTGTGGCAGAGAAGCTTATCCCAG  
GAAGTGAGTTATCACAGCATATCAGCACCGCTGGCATGGAAGCGAGTGGTACTAGCAACATGAAGTTTGCTC  
TCAATGGCTGCCTCATAATAGGAACATTGGATGGGGCCAACGTAGAAATCAGAGAGGAAATTGGAGAGGAG  
AACTTTTTCTATTGTTGCAACTGCGGATGATGTCCCAAGGCTCCGGAAGAGAGAGAACGTGGACTGTTTA  
AGCCGATCCTCGATTTGAAGAGGCCAAACAGTTCATTAGGAGTGGTGCAATTTGGAAACTATGACTATGGCCC  
TCTCTAGATTCCCTGAGGGAAACTCAGGCTATGGCCGAGGTGATTACTTTCTTGTGGTCATGACTTCTCGA  
CCTACATGGATGCACAGGCAAGAGTAGATGAAGCTTACAAGTAAGTAAGTGCCTCTATTTCCCCTCCCTGGTT  
GTTTAGCCTCAATGATGCTGCTAATGCTAGTTCTCTGATGCTGCAGTATGCAAGGTTATTATTAATTATTGTAAC  
TTAGATATTTAGTTTAAAGTTTAACTATTCAAGTAAGGATAAGGGAAAAGTTGTTCTCAATCATGGAAGTT  
TTGTCTAGATAATTATGTTTCTCTGATGGTCCTAGTGCTAGATTGTTTGTCTACTTATCAAATATTTATTGGGTT  
AAAATAGCTTGAGCAAGTTCTGGTAGGGAGGGAGAGATTTGTTTCTTGATAGTCGGTTAGGCACTATTTCTTT  
CTCCATCGAAGATTACCGGTGATTCTTATTATATGATTTGATACACAGCTTCAACTAGATTGCTGGTGAGGCA

TCATGTCCGATATATATTGATTAATTGACTAAAGCCTCCATACTTCGAGTCTTTGTGAAAATCGACTTCCAATAG  
CTTCAAGATTTATTGAAAGCATGCCCCAACAATCAAAATCAAGTTTATTTATTTATTTTGGGGCTGCTTATTGA  
TTAAAAAATCAATCTTAAACCATCCAAGTAACAAACAAGATTTGTCTGAACACATACATATTCTGCAGGGACCG  
AAAGTTGTGGCT

>trans\_c\_681 AY496910|Glycine max cytosolic malate dehydrogenase mRNA, complete cds

CTTCATCTTCCTCAATCTTCTCTCCACTCTTCCACTGATTCTCCTTCGTTTTTCTCTTCCGATTCTTCATCTTTCTCT  
TGATCTTCCTCACTCATGGCTCAAGAACCAGTTCGAGTCCTTGCTACTGGAGCTGCAGGACAAATCGGATATG  
CTCTTGTGCCTATGATTGCAAGAGGAGTATTGCTAGGACCTAACCAACCTGTCATCTTGACATGCTTGATATC  
CCACCTGCTGCTGAGTCTTTGAATGGCGTAAAGATGGAGTTGGTGGATGCTGCTTTCCCACTCCTTAAAGGTG  
TTGTTGCTACAACCTGATGTGGTTGAGGCTTGCACTGGTGTCAATATTGCTATCATGGTTGGTGGATTCCCAAG  
GAAAGAAGGTATGGAAAGAAAAGACGTGATGTCCAAAAATGTCTCGATTACAAGGCTCAGGCTTCTGCCCT  
TGAAAAGCACGCTGCTGCCAACTGTAAGGTCTTGGTCGTTGCCAACCCGGCTAATACTAATGCATTGATCTTG  
AAGGAGTTCGCTCCTTCCATCCCGGAGAAAAATATTTCTTGCTTGACTAGGTTGGATCACAACAGGGCATTGG  
GCCAAATTTTCAAGAGAGATTGAACGTTCAAGTATCAGATGTTAAGAATGTTATTATCTGGGGCAACCATTATC  
AACACAGTACCCTGACGTCAACCATGCTACAGTCAAGTTACCATCTGGGGAAGAGAAATCTGTCCGCGAGCTT  
GTTGCTGATGATGCATGGTTGAATGGAGAGTTTATTAGCACTGTTCAACAACGTGGTGCTGCAATCATCAAGG  
CCAGGAAACTCTCGAGTGCATTGTCTGCTGCTAGTGCAGCTTGTGATCACATCCGTGATTGGGTGCTTGGAAAC  
TCCGGAGGGGACCTGGGTTTCCATGGGAGTTTATTCTGATGGATCATACAATGTACCAGCTGGACTGATCTAC  
TCATTCCCCGTTACCTGCCGTGACGGTGAATGGTCAATTGTGCAAGGACTTTCGATTGATGAATTCTCTAGGAA  
GAAACTGGACTTGACTGCTGAGGAGCTGACCGAGGAAAAGGCGTTGGCTTACTCATGCCTCTCCTAAATATAT  
AGTAAAGTGCCTCTTAATTTACTTTTTGTTGAATGGCTACAGTTTTGATTGAATAATGCCATTGTTAAGAGGAG  
GTCATAGGAAGCAGTGAAAACAGGACAATACAACATCTTCTGCTTCTTGGTGTTTTATGTAATTCCTATTTTG  
TTGAGGATTTTTCTTTCCCTTACGGCTTCAGCCGGCAATGAAACCATCATCAACTGCCAGTGTATGTGATGAG  
TTTTACATGAA

>trans\_c\_682 NM\_001052965|Oryza sativa Japonica Group Os02g0247200 (Os02g0247200)  
mRNA, complete cds

TCCATCCCGCCTTGTGTACACTCCTCAGTGCAACTTTCATACCATTCTTCTTCTCAACTTTTCTTCTAGGGTTTT  
GGCGCAGGGTTTTCGACGTTTCGTACTTCATCGAAGCCACTCATCATGCACGCTCCGGTTCTCGTTCTCAAGAT  
TCTCTAAAACGTGATTCTGGGAGCAAGGTTACCATGCTAACATCCAGGCTTCCAAGGCTGTTGCTGATATTAT  
TCGTACCACGTTGGGCCCCAAGATCTATGTTGAAGAAGTACATAAAAGTTGAGAAGGTTCCAGGTGGTCAGTTA  
GAAGATTCAAAGGTTCTTAAAGGAGTGATGTTTAACAAAAGATGTTATCGCCCCCTGGAAAAATGAGAAGGAAG  
ATTGTCAATCCACGCATTATTCTTCTTGACTGCCCCCTAGAATACAAGAAAGGTGAAAACCAGACAAATGCTGA  
GTTGGTCAAAGAAGAAGATTGGGGAATCCTACTGAAAATGGAAGAGGAATACATTGAGAATATCTGTGCACA  
GATAATCAAATTCAAACCTGACCTGGTTATCACAGAGAAGGGCCTCAGTGATTGGCTTGCCATTATCTGAGT  
AGAGCTGGTATCAATGCAATTAGGCGGTTGAGGAAAAGTACAATAATAGAATAGCCAAGGCTTGATGTGCT  
GTAATTGTGAACAGACCTGATGAGTTGCAGGAATCAGATGTTGGAAGTATGCTGGATTATTTGAAGTTAAGA  
AGATAGGGGATGAATTTTTTGCTTTTATAGTGGATTGCAAGGAGCCAAAAGCATGTACTGTGCTACTGAAAAG  
CGCTAGTAAAGATCTTTTGAATGAAGTAGAGAGAAATTTGCAGGATGCGATGTCTGTAGCAAGGAACATATT  
AAAAAATCCAAAACCTGTTCTGGGGGAGGTGCTACCGAGTTGACTGTATCTGCTACGCTTAAGCAGAAGAGT  
TCTTCTGTTGAAGGCATAGAAAAGTGGCCTTATGAAGCTGCTGCATTAGCTTTTGAAGCCATACCTCGAACTTT  
GGCTCAGAATTGTGGGGTGAATGTAATACGAACCATGACAGCATTGCAAGGAAAGCATGCCAATGGTGA  
CGCTGGACAGGTATAGATGGAAACACTGGTGAAATCACTGACATGAAAGAGCGTAAGATTTGGGATGTGTA

TAATGTAAAGGCCCAAACCTTTAAGACAGCTATAGAAGCTTCCTGCATGCTGCTAAGAATCGACGACATTGTT  
AGCGGTATTAAGAAGAAACAGGCACCAGGGGACAGGACCAACAAAGCCACAAATTGAGACGGAAGCGGATGC  
AGATAATGAGNCAATTCTTC

>trans\_c\_683 EF195120|Populus tremula x Populus alba TGA transcription factor 2 mRNA,  
complete cds

ACATCTGGTGGTCTCTCGTGAAAACCTGGGGAGAGTCTAATATGGCAGACACCAGCACAAGGACTGATACCTCC  
ACAGATGACACGGATGACAAAAGTCAAAGGCTTGACAAGGATCAAGGAACTCACCTGCCGTATATGATTCT  
AGCAACAAATCAAAAGAAAAAACAGCCGACCAGAAGACCTTGCGAAGGCTTGCTCAAAATCGTGAAGCTGCT  
AGAAAAAGCCGTTTAAGGAAAAAAGCATATGTGCAGCAGCTAGAAAAGTAGCAGATTGAAGCTTACTCAGCTT  
GAGCAAGAACTCCAGCGGGCCCGCCAGCAGGGTATATTTATTTCAAATTCTGGGGACCAAGCTCATTCAATGA  
GTGGGAATGGGGCCCTAGCATTGATGTAGAATATTCACGTTGGTTAGAGGAGCATAACAGGCTGATGAATG  
AGCTTAGAGCTGCAGTTAATTCACATGCTGGTGACACTGAACTTCGTACTATTGTAGATAATGTGACTACACAG  
TTCGATGATATTTTCAGGTTGAAAGGCATTGCAGCCAAAGCTGATGTGTTCCACATCTTGTCAGGAATGTGGA  
AGACACCAGCAGAGCGGTGTTTCCTGTGGATTGGTGGCTTCCGTTTCATCCGAAATCCTAAAGCTTCTTGTAAC  
CAGTTAGAGCCTTTGGCTGAGCAGCAGCTAATGGGCATCTGCAACCTACAACAATTATCACAACAAGCAGAAG  
ATGCTCTTTCACAAGGAATGGATGCATTGCAGCAATCGTTGGCCGAGACATTGGCCAGTGCCACCCCTGCAAC  
GTCGGGATCGTCTGGGAATGTGGCAAATTATATGGGTCAAATGGCCATGGCAATGGGAAAGCTTGGAACCTCT  
TGAAGGCTTCTACGCCAGGCGGATAATCTTCGTCAACAAACACTTCAACAAATGCATCGCATATTGACAACCC  
GTCAATCAGCCCGTGCACTTCTTGCAATAAACGACTACTTCTCCCGCCTTAGAGCCCTCAGTTCTCTGTGGCTA  
GCACGGCCACGAGATTGAAGGGTATCAAAGTTCTTTCTACTTAGTCTGCAGACTGAAATCAAATTTTATCGAAC  
AAGAGCCTCAAGCGCTGTTGGATTTCTTCATTGGATGAAGCTGGTTCTGTACAGAAATTTTACAATGAATGA  
AGATGGGTAATGGTATTAGGTGAAGTTTGTGAATGATATATACATATATATAGCTTTCACATTTGCAGTTGTTA  
GTGTCGGTGGTGTGTATGCTTATTACAATAATCTCTTATGTAGTTAGGCGATGTTGCATAGAACTGAAAAG  
GAAAATAGGTTGTATCTGTA

>trans\_c\_684 NM\_101047|Arabidopsis thaliana CLPP6; serine-type endopeptidase (CLPP6) mRNA,  
complete cds

ATTGATACTGTTGTAATTTCCGTAGTCTCTTTTTTGGTTTCATGTTGAAGCGCTCTTGAACACAGCGCCATTCTC  
ACAAGCTTCGCTCAAAATGGTAGTAGCTTCACCTTTTACTGCATCTCTCACTTTCTCTGTCGCTTCGCTCAATCG  
AACGTCATCCATTCTCAACTTTCTCGAAGATATTCACACAGGTCCATAGTCTCTGCTTTGCCGAGGCCTTATGG  
CGACTCCTCCACAATTGGATTATCGAGTAAACAAATGGGGCTCCTCTAAATCTTGACGATAAAGACTTTCTTC  
TCACCAGTACAAGTTATGGACCTATAGAGGCTAGGAAAGGTAATCCACCCATTATGCCTGCTGTGATGACACC  
AGGAGGGCCATTGGATCTCTCTTCTGTGTTATTTAGGAACCGTATTATTTATTGGTCAACCTGTCAACTCGA  
CCGTGGCACAGCGAGTTATATCACAGCTTGTGACTCTAGCAACAATTGATGAGGATGCAGATATTCTGGTATA  
TCTGAATTGCCCTGGTGGAAGTACATACTCAGTATTAGCAATTTATGATTGTATGTCTTGGATAAAGCCTAAGG  
TTGGCACAGTGTGCTTTGGAGTTGCTGCAAGTCAAGGGGCTCTTCTCCTTGCAAGTGGAGAAAAGGGAATGC  
GCTATGCCATGCCAAATTCTCGAATTATGATTCATCAGCCACAGAGTGGATGTGGGGGTCATGTAGAGGATGT  
TAGACGTCAAGTCAATGAAGCAGTTCAATCACGCCATAAAGTTGACATGATGTATGCTGCATTTACTGGCCAA  
TCTATAGAGAAAGTACAACAATACTGAGAGGGATCGATTTTTGTGAGTTTCCGAGGCTTTAGAGTTTGGGC  
TTATTGACGGTGTGCTGGAAACAGAATACTGAGCTACGATTTGGGGAAGATGAAATGATAATCAGCCACGCG  
TGATCTAATTATGCAAGAATTTGACTTCTGAATGGGGAATTTATTTAGTCTGTGGAATCGTCATCTCCAAGCA  
TCAAAGTCTCGGTCCGAATAGCAGCCATCGTTCCACTGGCAATCAATGATTAAGATCTAGCAATAGAGAACAC  
GATGATATGATTCTATTATTTGCAGCCAAGTAGATTCTTAATCTCAGAAAACGTACTCTTCTGAACTGTTAC



ATTGTCAAAGCTTGTGAACATTAAGAATTCATCCTGATAGCCATCTTGAAAAATAGAGTATACTCCAGAAGCA  
GGTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_685 NM\_105141|Arabidopsis thaliana ATMGL (ARABIDOPSIS THALIANA METHIONINE  
GAMMA-LYASE); catalytic/ methionine gamma-lyase (ATMGL) mRNA, complete cds

AAGAAAAAAGTTCCAAATTTTATTGTTCTTCTCATTCCATGGCTGAATTGAAGAATCATAATTTCCGGGGCA  
CAAAGAGAGCATCCCCGACGAATCGGACGACGTAAAAACCGATTCAAAGAAACCAACGGCCATGATTTCT  
CTCTCTCGAAGATCCAGCGGCTGCGATTGCCAATACGCGTCATGAGTTCGGCGAACACGGAGGGGTAAACA  
TGTC AATTGAAGCCTCCGCCACATTCACCGTCATGGAACCTGAAACCATGCGTCGGATGTTCCGCCGGTGAGTT  
GCGTCCCCGACCGTGATTTCTTCATCTACAGTCGTCATTTCAACCCAACCGTTTTGAATCTCAGCCGTCAGATGG  
CTGCCCTTGAAGGTACCGCCGCTGCCTACTGCACCTCTAGCGGAATGTCAGCCATCGCCGCCGTGCTCCTCCAA  
TTGTTAGCTAGTGGGGACCACGTGGTGGCGAGTAGGACATTGTACGGCGGGACCCATGCGTTGATGGCTCAC  
TTTTTCCGAGGACTTCGAATATAACGACGACGTTTGTAGACATAGGGGATTTGAAGGAAGTGGAGAAGGCA  
ATAGTTGAAGGGAAAACCAAAGTGCTTTATTTGAATCGGTTTCGAATCCGACGTTGGCGGTGGCAAATATAC  
CGGAATTATGCCGGATTGGACATGAAAAAGGTGTCACGGTGGTCGTCGATAATACTTTGCCCGATGATTCT  
GTCGCCGCGGAGGCTAGGTGCTGACGTCGTCGTTCATAGTATTTCAAAGTTCATTAGCGGTGGAGCTGACATC  
ATTGCAGGTGCAGTGTGCGGTCTACAAAGCTAGTGAACCTCAATGATGGATCTACGACAAGGGAGCTTGATG  
CTTCTGGGGCCAACTATGAATGCGAAGGTGGCATTGAGCTGTCCGAGAGAATCCCTCACTTGAGCTTGAGAA  
TGAAGGAGCATTGCAGAAGAGCGTCGGTGTTTGCGGAGAGGATGAAGAAGGCAGGGTTAAAGGTCATATAC  
CCTGGGCTAGAAGACCACCCACAACCAACTGATGAAGAGCTTGGCTAACCCAGAATACGGGTTTGGGGGT  
ATGTTGTGTGTGGACATGGGGACGGAGGAAAGGGCAAACAAGCTCATGAGTATACTTCAAAACACTACTCAA  
TTTGGGTTTCATGGCAGTGAGTTTAGGGTACTATGAACTCTAATGTCATGCTCAGGAAGTAGCACGAGTAGTG  
AAATGAGTGGAGAGGAAAGGGAATTGGCTGGAATCTCACCAGGGCTTGTAGAATGTCTATTGGGTATATGG  
GCACATTGGAGCACCCCGTTCTACAGC

>trans\_c\_686 EU188919|Vitis vinifera cryptochrome 1 (CRY1) gene, complete cds

ACAGCAGAAGATGGTAGAGCAGAAGTACCTACAAATGCAAATCTACCCCAAGAGCCCGCCAGAGATGCAGTT  
AACCCAAGAGCTATGCCAACTGCTCCGACACAGACTCGGCTTCCCTATACCGCAGGTATAGCCCTAAGAACTT  
CTGTTGAAGACTCGACTGCAGAGTCTTCTCCAGTAGTGATGTTAGAAGAGAGAGAGATGGAGGTGTAGTTC  
CGGTTTGGTCTCCACCAAGTTCGAGTTACACGGAGCAGTTTGTGGTTGATGAAAATGGAATTGGAAGTAGCTC  
TTCGTTCTTGAGGGGCATCAACAGACTCATCAATAATCAATTGGAGGCGGCTATCTCAGACTGGGTAACAA  
CTTGTAATCATATGCTGTAGAGGAGATAAAATGTTTCATATTCTCTGGTGGCTATATCCCCACAAGAAGTAGTT  
GGTAGCTTGACTTCTTTTCCGTCTCGAAATTCTTCTAGCGAAAAATACGAACGATTGCTGCATAATCATCAT  
CCTATAATATGAAAATTTTCATGTTTGTTAAAGTTGTTTCTGTGTCTTTGACATGATTCAATGGGCTTTTCTTTAA  
CAGGTGAGAGGCCAAATATGGGAAAAGTAGCAGACAGTGGAGGACAATGCAATTTCACTCGATGCTATTTTAT  
TAGGGGTGGTCAGGTGAGCCAGATGGTGAACAAGCAACAACTAACATGTTCTTCTACTTTCTCCACCAATCT  
GACTTGACCATTGGTCGCTGTCACGTGTATGAAATTCCTAACTGATAGATGCAGTTCATCTGCTGATGGTCATC  
TCCCTCCTTCCCTCTCTTGTGCTCTTCCGTTATTACGGTTGTATCATAAAGTCTTGCTATGCTGTATAGTGAA  
AGTTGTAATTTGTGTAGTTGTAACACCAAGGGTAGAGAATTGAAATAGCGATTGTCAGTCGTCTTCAATAAA  
CTCAAGTTTGCAGTAGCCCGAATTCTTGTAAGCTTATGCTTAAGCTATGGAAATATTTCTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGGGCCCCGCCCCCACCACAAAAAAAAAAAAAAAAAGCACCACCCCCGGGG

GGGGGGCGGCCGCAACAACAAACACGAACGGAAAGACCGCCCCCCCCAACAGCGGCGCCGACAGAAAGACA  
AAGGGGAAAGAACCAGAAGCG

>trans\_c\_687 NM\_125099|Arabidopsis thaliana macrophage migration inhibitory factor family  
protein / MIF family protein (AT5G57170) mRNA, complete cds

ATACTATAGGTTAGCAAATCACAATCTTGTTTAAAAGATAAAAATTGGTTGCTTTAAAATTGTAAGCACATTCT  
TAATATTCATAAATTAGTTTGGAATTCAAAAAAAAAAAACTTAATTATTAACGTAAACAAAATATATAAATTCA  
TGATTTGTGAAAAATCCTTCAATATCAACATATCTATAAATTTGAAGTCTTGAAATTGACACTGATATTTTCGTA  
CGGTTGCACAAGATCGAAGGGGACCGATTGAGATTACGTTCCGACCCATTTTATCTGCAAAGTCTCTCTGGAA  
GCCACCCGTCGCCATTGCCATTTTATATGCACAGAGGACAAGCTTTAGCTGGTCATCCCCATTAGCAGCTGCA  
GAGGAAAAATGCCGACTTTGAATTTATTCACGAATGTTCCAGTCGATACTGTCGTCGCCGCTGACATCCTCAAG  
GACGCTTCGAAAGCCGTTTCTAAAATTCTCGGCAAACCTGAATCTTATGTGATGATCTTGCTGAATGGTGGCAC  
TCCAATTATATTTGCTACGACGGAAGAGCCAGCCGCGTATGGAGAGTTGATTTCCATAGGAGGCCTTGGACCT  
GGCGTGAATGGAAACTTAGCTCAACAATTGCTGAGATTCTTCAGACCAAGATCCAAATTGATGGTTCCCGTT  
TCTATATCAAATTTTATGACGTCCAGCGCTCAAACCTTCGGGTATAACGGCTCAACATTTTGATAAGTATTTTGT  
GGATCATAAGACAGAAGTGTTATCAAGCATGAAAGTTGTGGAGTACTAAGATTATTCAAGGGAGTTGATGGA  
ACACATTTTCTGCCATTATTTGTAACTATTTGAATGTGGATGTAAGTGAATGATTGTCTTGCAATTTTATTTGTT  
TGAGTGTTTCATATCATTAAGTATAACAACAAGCTGAGCTTCTCGGTTGAGTTATTGATCTTTATTGTACAGA  
AGAATTGGTCCATGCCTCGGTTATGCAGTTTTCTTAGAGCAACCACTTCTACCTTATCCCCAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCGCCCCCAAAAACTTACCAATCCCCCACCCTGGGGGGGC  
CCCGGACCCCATCCCCCTAAAGGAAGCCAAATTACCCCCCTCCCGGGCCGGGTTTTAAACCCCCGTGCG  
GGGAAAAACCCGGGTTTCCCCACTTTACCCCCCTGCCCAATCCCCCTTTCCCAAGGGGGCAAAAAACAA  
AAAAGCCCCC

>trans\_c\_688 NM\_102294|Arabidopsis thaliana ALB4 (ALBINA 4) (ALB4) mRNA, complete cds

AGCTGGCATAAACCCACTGGCAGGATGCCTACCCACGTTGGCAACAATTCCTGTATGGATTGGACTATACAGA  
GCTCTCTCAAATGTGGCCAATGAGGGTCTCCTCACGGAAGGTTTTTCTGGATACCTCTCTGGCTGGTCCAAC  
TACGATTGCGTCCCGACAAAATGGGAGTGGTATTTCTTGCTCTTTCCATTTGTTGAAGGTCATCCTCCACTTG  
GGTGGTCAGATACCTTTGCATATCTGTTTTGCCTGTGTTGCTGGTCGTTTCGCAGTACATCTCTGTTCAAATTA  
TGCAATCATCGCAGAATAATGATCCAAGCATGAAGAGTTCTCAAGCCATAACGAAGTTCTACCATTGATGAT  
TGGATATTTTGCTCTTTCAGTTCCTTCTGGTCTAAGTCTCTATTGGCTCACCAATAACATCTTGAGCACAGCTCA  
GCAAGCTTGCTTCAAAGGCAGGTGGCGCAAAAACCTGGACAAACAGTTCATCGATGAAATCGTGAAACA  
AGAAGAAAAACAAGCCCGAGTCCAGAGCGAAGCGCCCAAGTTAACTCAATATCAAGTAGCACAGTAGCTCG  
ACCAGAAGAGAAGCTGACAGCAGAAGGGCTAAAGCCTGGTGAAAGATTTAAACGGTTAAAGGAGCAAGAGG  
CTAGGTTAAGACAGCAAAGAGAAGAAGAAAAAGGGAAGCGGAAGAGTCTGCCAAGGTTGAATCTCTGACA  
ATAAATGACAGGGACAAGAGCGCATCTGNTTGGAGTTGTTGTCAATGGTAGTCTTTCTAGGCAGGAGGATGT  
AAAGGAAGATCGAAATTCATACCCACGACTACTATGCAAAGAAACGATGTGGATAGTGAGCCAAGTGCAAC  
TCAGGGAGAGGGAGTGCTCGAGACATACTAGGGTTGCCAAGGATGCCAAATTAAACGGAGAAGAACAAA  
GAGAGTAACTGGTTAAGGGAAGATAGAGATAATGTTTCGATTATACAAGCCAGCAGGCTAGTTCACATGGTT  
GATATGGCACTAAAGCCAATTGTTTCGCATAGCTCGATACCGTGAAGAATTACATTGGAGGTATCACGAATAC  
TGAAGTTGAACTTTCTCTGGTGGTCGCTTCAGTCTTAAGAGTTTACTCATCCACGATAAATTAGGGTACGGGA  
TCTGGATTTTTGGCGCACTTTTGTGATTTTACGGAATGTAATCTGTAATCTGTACAATATAGATGAGTACTTG

[illegible]

>trans\_c\_691 AJ243875|Lycopersicon esculentum mRNA for RAD23 homolog

TCTCTTTACTCGCGCTTTCGGTTACCGTCGTTTCAATCCTTTCCTCGTTCTAGGGTATTAGCATAATTCTCTCGAT  
TCCGACGTCGGACCTGCTGCTGCTGTGGTCTTGCATCTTCGCGAAGGCAGCCATCAATTTCCGAAGATGAAGA  
TTTTTGTTAAGACTCTCAAGGGCTCTCACTTCGAAATCGAAGTTCAGCCTGCAGATACGGTTGCCGATGTGAAG  
AAAAACATAGAACTGTTCAAGGTGCTGATGTTTACCCTGCTGCACAGCAGATGCTTATCCATCAAGGGAAAAG  
TCCTTAAAGATAGCTCAACACTGGAGGAAAATAAAGTTGCAGAAAATAGTTTTATTGTAATAATGTTAACAAA  
GAATAAAAGTTCATCAGGTGGGACATCTTCTACCACACAAGCTGCGCCAGTATCAAAGGCACCACAGAGCACT  
GCCCCTGCGCCCGCTGCTACTCCAGTGTCAACTACTGAAGTTCCTTTACCAACTTCAGCACCGCCTGCTAGTGT  
TACTGCTGCTTCTCCTCCCGCTCCCTCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTCCTGCTC  
CTGCTCCTGCTCCTGCTCCTACTCCTACTCCTACTCCTACTCCGGCTGCAGCTCCAGCTCCTGCAACTACTGTTTT  
GCCGGAACAGATGTCTATAGCCAAGCAGCTTCTAACCTGGTTGCTGGTAGTAACCTGGAGGAGACTATCCAA  
CAGATTCTTGACATGGGTGAAGGGGTTTGGGACAGGGACACTGTTGTTGAGCGCTTCGTGCGGCTTACAAC  
AATCCAGAAAGGGCTGTTGATTACCTTTATTCTGGAATACCTGAACAAGTTGAAGCCCCACCTGCTCGAGTTCC  
TTCTACCGTGCAAGCAAGCAACCCTTCTGCTCAACCTGCACAACCAGCCCAACCTGCATCTGTGCCGTCATCAG  
CTGGCCCAATGCTAATCCATTAGATCTCTTTCCTCAGGGCTTGCCTAATATAGGTTCCGGAGCTGTTGGTTCC  
GGCAGTCTTGATTTTCTACGAAATAGTCTCAGTTCGAAGCTTTCGAGCAATGGCCGAGCTAACCTCAGAT  
ACTCCAGCCTATGCTTCAAGAGTTGGGTAAACAAAATCCTCAGCTGATTAGGCTAATTCAAGATCATCAACCTG  
ACTTCTCCGCTTGATTAATGGGCCCCCTCGAAGGAGAAGGGAATATACTTGGGCAGCTTGCTGAGGCCATGCC  
CCAGGCTATAACCGTAACCCCGGAGGAGCGTGAAGCCATTNCACGGCTTGAGGATATGGGTTTCGACCGAGG  
TCT

>trans\_c\_692 HM122720|Malus x domestica WRKY domain class transcription factor (WRKY17)  
mRNA, complete cds

CTAAATTACACTTCTCTCTCACACTCCAATCCTCTTCTCCAAATCCATGGCGGTGATCTCGCAGCTTTTCCGGC  
CATCTTCGACGATCAAACCGCCATTGAAGAAGCCGCCACCGCGGGCTTACAAAGCATGAACCATCTAATCCAT  
CTCTTGCCAAACAACAACAACAACAATACCACTCCGAATCTCCTAATAACATCGATCTCAATTCTTCTCTT  
CTCACCGATTTACCGTCTCCAAATTCAAACGATTGATTTCCCTTTTAAACCGAACCGGCCACGCTCGGTTCCGC  
CGTGACCTTCGATTCTCCTAATCCCCTTGAATTCCTCGATCCGCCTCAGAAAACCCATTTCTCTAAACTTA  
ATTTCTCCCCTGTTTCGAAAATCCCTGAGTCTAGAGATTCCACTACTACCTCTTCTTTTGTGTCTACGGTACCG  
GCGACGGTAGTGTTTCTAACGGTAAGCTTGATCTATCGGTCTATACGACGCCGCTGCCAACGGCGGTAAACC  
GCCGTTGGCGATGAAGAGGAAGTGAATGATGTATCTGGATTTGGTTGTAAGGTTCTAATTCTGAAGCTATGT  
CACTGTGCAAAGCGAAGGAAATCTGGAATGAAGAAAAGTGTAAAGGTCCCGGCGATAAGTTCTAAGATCGCT  
GATATACCCTCCGATGAATACTCTTGAGAAAGTACGGCCAAAAACCCATCAAAGGCTCACCTTATCCTAGAG  
GGTATTATAGATGTAGCACCATGAAAGGATGTCCGGCGAGAAAGAAGGTAGAAAGAGCTCGAGACGATCCA  
ACGATGCTCCTCGTAACCTACGAGGGCGATCACCGTCACCCGCACCCATATGGTCGCCGACGCCAGCGTGCGGTG  
TCGTTTCCCAAAGAGTTAAAGAAAAAAGTGTGAGGAATCAAACGCTTTTACCGATTGGGCTGTGACGC  
CGTTTCTGAAGATACCTGGTGACTCTAGAGTGAATTGTAAAGTCAAACTAGCCTCGGAGTTCACGAAGCAA  
TCGCGTTGGTCCAAGTCAAACCCTCGTTCGGAATCTCAACGAGGTGGAAGGGTATCGATGTAATTTTGTTAAA  
TGTATTATATTATACTTTCTTTTCTTTTTTCTTTTTTTTATTGAAAGCTAATTTGACCAACAAATATGGGGGT  
CCCACATGGTTGGAATTTTTTTCTTTTTTACTTTTATTTTTTTATTTTTTATTTATATTCAATAAAACACAAAATGT  
TATACTTTTAATATATTGATGGTTGGAAACTTCGGAATTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_693 AY062771|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g58220; MCK7.9) mRNA, complete cds

AAACTTGATTAAGTTCCAAAATGCGACAAAATATACAAACGCCGCCACCGCCAGCGCAGCTGCAGATTTCAT  
CTAACCAACACATCGGCTGTTGAGTGAGGCTTAGAGACTTCCGACTGTAGAGAAGGAAGAGCGAGTAATCGG  
TGGCAATAACGATGGCGTCGAATTATGATTTTGGAGAGGAAGAGTTTCAGGCATGCTGTGGAAGCTCCAAAT  
TCGCCAAAGAAATGGTTTCCGCTTCCCCTTTTTCTCCTTAGAACAAGCTATAGCTGCAGCTAGACACATCTGG  
TTCAATCAGGTTGATGTGAGTGGTTGGTTGGAAGCATTCTCTGCTCATCCACGGATTGGTGGTCAAGTCTCCA  
AATCATCCAATCAGACTAGTGCTCAATGGAGTAAGGGAGAACAGTCAACTGCAATGGCAACCGCGACTGGTT  
CTAGCTTACAGGAGTTAGCAGAATGGAATATTCAGTATCAACAGAAGTTTGGTTTTGTTTTCTTATTTGTGCA  
TCTGGAAGGAGCACTAGCGAGATTCTAGCGGAATTGAAGAAACGGTATCCAAATAGACCCATAGTTGAGTTT  
GAGATTGCTGCTCAGGAGCAAATGAAGATAACAGAACTACGTCTTGCAAACTTTTTCTCAACCAACAAAATA  
CCTCTTCAACCAGAGAGAGCCATCCTCCTCCGATTTTGCACGAAAAGTAGAAGAAGATCGTGTGAACGTTAT  
TGGAGGGCATCTAGGTGCTACTTCTGAAGCTTCAACTGGGAAAACATCACAATTTTAACTCGAACTCGACCC  
CCAATTACGACCCACGTGTTAGATGTTGCACGAGGATCTCCAGCTGCAGGTATTGACGTCTGTTTGGAAAGAT  
GGATCGGTACTCAACCACGCCCCCTATTCCGGTGAGGGCGATGTTGGGGGCTGGGCACTCGAAGGGACATCGG  
CAACCGATAAAGATGGCAGAAGTGGGCAATTGTTGAGCATGGTTGAAGCTATAAATCCAGGAATTTACAGAA  
TAAGTTTTAACACGGGAAAGTATTTCCCGGCTGGGTTCTTCCCTACGTTTCCATTGTGTTCGAAATCAGGGAA  
TCCCAGAAGTTAGAACACTTTCATGTCCCTCTCCTGCTTTCACCATTTTCACTCTCCACATATCGTGGAAGCTAG  
AAGTTTTCTGTGCATGTGACCATTTCCGGTGTTTCAGCAAAAGACGAATAAAGCAATGTCGATTGGTATCGAAT  
GTTGTATAACACATAAAAAACCTCTTATGCAAATTATGTAATAAATATTAAGATATTATCTACAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_694 NM\_001053532|Oryza sativa Japonica Group Os02g0526400 (Os02g0526400)  
mRNA, complete cds

ATAGTTGTTTAACTCTGAGATGGTTTTTTAAATAACGTTTCCATTTAAAAAGGAATTGAGAACCCTTTGTTTATA  
GGATTATTAGTGAACTGATCGGCAAGACTTTATGGTCTCACCGTCCCTGCTATTCACTTTATCTTTAACATTTCG  
AGTTTGAGGTTTTTAAGACAGCTCTCCTGAAGCATTACACTCCCAAACAAAAGTTTGGTTCCGATGTCCACCCC  
TTTGCAATTGAACTCAAAACCCCTCATAAATTGTCCATACTGCAGAGTTTAAGCTGGCCACTTGAATATTACTG  
ACAACATCTATTTAGCATTTGGATACTAAACGCACCATTGTGTCAGGAAGCAGCTATGCTGAGATTGGACATG  
AGTGAATATATGGAGCGACATTCTGTGAGTAACTAATTGGATCGCCTCCAGGATATCTTGGCTATGGAGATG  
GAGGAACATTAACAGAAGCAATAAGACGAAAGCCATTTACCGTGGTATTGCTTGATGAGATAGAGAAAGCTC  
ATCCTGATGTTTTCAACATCGTCTCCAGTTGTTGAAGATGGACATCTTACAGATTCTCAGGGACGGAGAGTC  
TCGTTTAAGAATGCATTGATAGTAATGACATCAAACATTGGTTCCACTTCAATCGTTAAGGGTAGACATCACTC  
TATGGGTGGTTTCTTTCTTCAGAAGATGAGACATCAAGTTCATATGCAGGAATGAAAACCTTTGTGACAGAG  
GAACTCAAGGGGTATTTTCTGCTCTGAGTTGCTGAACCGAATAGATGAAATAGTCGTGTTCCAACCCCTTCAAA  
AGACACAGATGCTCGAGATCTTAAACCTAATGCTTCAAGAAATAAAGGAGAGGCTGATGCTGCTCAGGGTCG  
ATCTGGAATTATCGGAATCAGTAATCGATCTCATTTGTCAAGTAGGGTATGACAAAGCTTATGGTGCAAGACC  
TCTTAGGAGAGCAGTTACCATGATAGTTGAAGACCCCTTTAAGTGAGGCATTGCTTTATGAAGATCCAAAGCCT  
GGTGATACTTTTATTATAGATTTGGATTCTACAGGGAACCCCTTTGTCAAAAACCAATCCAACACTGCATTTCCA  
CTTGTTTGACATAGAAAAAGAAATAGAGGAACTAAGTTTATCAATGATTTAGAGCCGAATTGTATAGTAGTCT  
ATATTTAGTGTATAGTTATGTGATTTTTCGACAAATATTCTTTGAAAACGTTATACAGATTACAAACAATAACT  
GTATATATTTTTCTTTTGCCAAACATAGTAAATAAGAGCAACTTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_695 NM\_100148|Arabidopsis thaliana TAF13 (TBP-ASSOCIATED FACTOR 13); DNA binding / RNA polymerase II transcription factor (TAF13) mRNA, complete cds

GCCGAACCAAACCCTCGCCCCTCTCACGATCGACGACGCCATACCTTCCCTCTCTCGGCTGCCGTTCAACCGAC  
GACGACGTCACTTCAACATCTAAGGAGAAGCTACTGCTGACTCTTTCGTAAGTCACTCCCGGCCGCGGTTGCTTA  
TTTCAGACGGCTTTCTCTCGGCTTCATTTGAGCTCTCATCGTCGTCATTTCCGATTTCTTCATACTTGTCTTTCCA  
TTGTCTTCTTGCTTACTGCTCCAATTCTCCATCTCCGATTATTTTCGTTTTATTATTGTGGGAAGATAGTAAAGA  
TGAATAATTCATCTGCTGGGTCGTCCTCAAAGCAAAGAACTGGATCGTCTCAGCCCTCTGAAACCTCTTTTAAG  
CGCAAAAGAGGGGTTTTTCAGAAAGAATTGCAGCACATGATGTATGGTTTTGGAGATGACCCTAATCCCCTTC  
CAGAATCCGTAGCACTTATGGAGGACATAGTTGTGGAGTACATCACTGAACTGGTGATAAAAGCCAGGAAA  
TTGGATCAAAGAGAGGAAAGCTATCAGTGGAAGACTTTTTGTATTTAATGCGAAAGGACCCACGCAAAGTGA  
ACCGTTCAACTGAACTGTTGTGCGATGAACGAAGAGCTGAAACAGGCAAGGAGAGCTTTTGAGATAGATGAAG  
ATAAGCTGAAAAAGGCTTTTGAAGAGGAAGACAAGATGGATTAGTAATCATTGGAAGATATTTGGAGGTCA  
TATGTCATTGTTGCTGTACAGACAAAGTATGTCTCATTATGGTTCCTTGCATATAAAAAGTCACCGCGACGCG  
TCTTAGAACTCTCTGTCTTTGTCTCCTTTTAGACAGGGCAAAGCAAAGCAATTAGCGTTAACAAGGTATATT  
TTGTTTTTTCTGCTTAATGGCAATTAATGTACCTGCTTAATGGCAACTTATACGTATAAAGGGTGGGGGCTCC  
CTATTGTACACGCACCCCTTTTGAATTAATGAAATGAACGCCTCTTTTGAACGTTTGTAGCCTTAGTATATTGC  
TTCATTCAATATGTTAAGAGTTTTCGTACTGGGGCCTATCTTGGAGCAAACAATTATGTGGCTATCTAATTGA  
GATCAAATCTGATTGTTTCTTAGAATGTCTTTCAAATAGTATAAGTTACTCTTGTGTACATGGTGTCCGTAAAT  
TGTTAAAAGTATTTAGTAAGTTTTGAACCTTTGAGTTTCTAAATAGGTTTGGTATAACTCTGAAATCTTTAAAA  
ATCTGAAGATCGTATCATTTTAAATTTGGTGAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_696 AY050469|Arabidopsis thaliana AT5g25080/T11H3\_90 mRNA, complete cds

GTTTTGATAATTAAGCTTCCTTTGAAGTTGTTTTTATAATTAAGGAAGAAAAAACTCCACACACTGAG  
ATCGGAAGAACATCGGCCCAAACCTGCCCGCTAACTTCCTCCAGTTCGAACCCAAAAGCCCTAACCGTCCGT  
TTTCCCCTCTACGATTATCAATCACGACGGTTGAGCTTCTCTCCGCCGTCGACATCTCCTTCTAAGAATTTGAA  
TCTTGTATCTTCGCTATCTCTTTGTGCCCTGATAGAGACGGAGTTTAAAATTGGGGTCAAATATGGAGGGAG  
GTGTTTCGAGATTTTCGCTGTTGTGCCGGAAGGATGATGGATTTCGGTGAAGACGACATTGGACAATGTAGAAC  
ACGTCCAAACTCACCTTATTTCTTCTGTCTATCGCCGAGCCTGAAGTCCTTGCTCAAATGCAGCCTCTCCAAC  
GGGCTCAGTCTATGCTTTTGCTTGCTAGAGTCACTACCACTCTCTTCGATTGAAGTTGAGGTGTAACGGAGTT  
CATCTTGATGATCATCCTATCAAATCAGAGCTTGAAGATTAAGCTTGTATGAAGACAACTAGAACGGTTCAT  
AGGCTTGAGTAAAGTTCCATTGAAGCGTTCTACTACCTTGAAGTATCAAGCAGCTACTCGCTTTATTGAACATT  
CTCTGCCTGATCTAACTCAAGAGCAAAAGCTGAGTATGAGGGATATTAGTAGAGGAAAGGGGCAAAAATGA  
AGCAATTAGAGAGGAACGTACAGAAGAAGAGGAAGTATCAGTCTTCTGAAAAACAATCTGTTCAAAGTCTG  
CCAAGGAATTTCTTGAGAAAGCAGCGCGTGAGCTTCTTGGTGATAGTAATGGAGGTTTGCAGGGTCCATTGT  
GTGTGGGATGCTTCAGATGATGATGCCCTGCACGAAGACTGAATCCTGGATTTCACTTTGGAGTATGAAAACC  
AGATTCTCTGTGCCCTTAATTATCCCAATTCGCAAGAATTGGCCATTTTGAAGTTGGATTTGGACGTCTGTT  
TTTCCCCCTTTTCCCCTTCTCTCTCCAGTTTCTCCTTAGGAAATTAATCGTTTTCCCTTTACTCTGTTTAGAACT  
CTTTATATATATGTGCATTTTGGAGTTCAATCCCATCATAATTTACTATTACGACATTGAATTGTTTTTGTTC  
TTAATATTGTGATCATGTGAACGAGACATGATCTTGATCAAAGGAGTCTGTGCCTTTTACATGTAAAGTAGCTT  
ACTTTGATAGCTGACTTTCTAGTGATTTTTGGGTCTGTATACCGATCATCATCTTGTTACTTGACACTTTTTTT

>trans\_c\_697 BT024614|Arabidopsis thaliana At4g26550 mRNA, complete cds

ATAATTTGGGTGATTGGTGTTCCTTTCCCTTCGTTTTGAAGGCTTCGCTACACTTGCTTCGAGAAAACAAC  
CAAAATCGTTCGCTATCACAACCAATTTCAAATTCCAAATCAAAGTGCAACGCTTGAACCTTTTTCTCAAATAA

TTTGAACCTTCGTTGTGGAAGGGGCTGTTTGTCTGCCGAGAAAACGATGCAGAAAATGGCGCAGGGTTGGTTC  
ACGCAAGGAGGTAGTAGTGGCAGTGATAATCAACTCAAACTTCCTCTTCGTTGCTCGCCGATTGGAACCTTT  
ACGCAGAATCACAAGCTGCTGATGATAGCACCTTCAATATGGGAATTGGATTGGATCTCGAAAAGTGCTGTTAG  
GTCCGCCAATGAACTGTTTCGGGAACCTTCAACGTGGTTTCTAAAGGAGTGAGAGAACTTCCTGGAACTTC  
CAATCTGCCACTAGCAATGTTCCCTCAGGAAAAGCCCTTATGTATTTTGGTTTGTTCAGCAACTGGGGTTTTTC  
TTTATTTTCATTGCGTTTACAATGTTCCCTCCTGTCATGGTTCTGATGCCTCAAAAGTTTGCCATCTGCTTTACGC  
TTGGATGTTGCTTCATCATTGGATCCTTTTTTGTCTCAAGGGTCCGAAGAATCAGCTTGCACATATGTTCTCAA  
AAGAGAGACTTCCTTTTACAGTGATCTTTATTGGTAGTATGTTGGGCACCTTATATGTTTCCATGGGCCTCCAC  
AGCTATATTCTGTCAGTTTTCTCTCTGTATTACAGGTTCTTGCACTTGCACTATGCTGTTTCATATTTCCCTG  
GAGGGTCTACTGGGATGAAGTTTCTGTCATCTGCTCTTACGTCTTCGGTAATGAAATGTTTCGGCAGGTGATCT  
CAACTCCACTGTAGCGTTCAGTTGGTGTACTGCACATTTCTCTCCCGATTAGAGATCTATGTTAAAGTTCGTAA  
AGTTTTGGAATTGCTGAATGTACAAACCAAAAGTATTAACAACAGGCACCATTTTTCTGTATTCCGATTTGGTT  
GTTTCATCCCCATCCTCACATTGACTGAGCTATTTAGCAACTGTAGAGAGTTCAATTAATGGGGAGAAAGAGTT  
GTGAAGGCTTTAGGGCATTAAATGTTGCTATTTGCTACCAATGCCATCACAATTTGAGGGCAATAGAGAATGAA  
ATTAGTTTACTTTTTTGTTTTTGAAAAATAGATTACTTCATCCAGCTTACTTATTATATATTGTCCATTCTGCGTT  
AAAAGGCTACCACGCTCTCATTATATTATATCATCGGTATATTTGAATTGCAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_698 X72385|D.carota mRNA for B2 protein

GGGCTGCCGCTTTTTCTCTATAATTACTCTACACACCAACTTCATGGAGTTTTTGAGGTTAGAATTATAAGTAAC  
GATTTAAATACTAACTTTGGTTTATAATTAATTAGTAAGCAATTAATGGTTAAAGTATTTTTGTGAGGATGATT  
AATAAAAAATGAAATAATGTCAGGCTGCAAGCTTTGGAGGGACAAACATTGATCCGACGGCTTGGGAGGACAA  
GAAATGCCCCGGAGAGTCCCGTTTCCCTGCTCAGGTATATATCATCTTATTATTAATATAATGTTCAAAAGTTCT  
TTGAGTTTAAATTGTTCTTAAACTTTTCATTTTCATCTCTATATAATTAGACTTTTCATCTTGTAATTTTCATATCATT  
ATCGATGGAAATGTGTAGGTGAGAGTAATAACAAGACAAATATGCGAGCCATTGGAAGAGGACTCGTTTAGG  
CCAATTCTTCACCACTATGATGGCCCTAAATTCCGACTTGAGCTCAGTGTTCCGGAGGCTATTTCTCTCCTTGAT  
GTTCTTTCTCACCCAAATTCTTAACTTTACAACGATTACTTGACTTTAGCTACTTACGACAATAAATCTTCATGT  
AAATACTTATAAATCTTCTCTATGACATGATATCATATATGTAATATTGTTCAAGATGGGGAAGAAAAATTA  
TAGATCACACAGTTTTTGTATCTTATGCATAAATAAGTACTCGAATTTGAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCCAA  
AAATTTTTTAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGGGCCCCCCCCCTTCCCCCTAAAGGGGGGAAATAAACGGC  
CCCCCGGGGGCCTTTTTTAAAAACGGGGGGGGGAAAAAACGGGGGTTTCCCAAATAAACCCCTTGGC  
AACCCCCCTTTTCCCCGGGGGAAAAAATAAACCCCCCCCCCCCCCCCCCAATTTTCCCCC  
CTAAGGGGGGAAAAGGGCCCCCCCCCTGACCCCCCTTAAAGGGGGGGGGGGGGGGGGGTTTTCCCAAGGG  
GGCCCTCATTTTGGGGCGCCCCCTGGGCCCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCCAGGGTCGGGGT  
TTTTCCCCAAAAAATAAAGGGGGGCCCTTTTGGGGGTCAAATTTTGGTTTCGGGCCCCCCCCCCCCCA  
AA

>trans\_c\_699 BT024916|Arabidopsis thaliana At5g47870 mRNA, complete cds

AGGGGAAGAAAAGTTAGCTGCCGTTTCAAGTTGGAAAGAGGAACCTAAGCCGCCGTGCCAATTTTTGATCAA  
GAACTGCATCCAACCTGTCTCCGGCGACGTTAAATCAAGATCTATCGAAAAAGCTCCAAACGTGAGTGGAT  
CAAATCGGATCTGAAATCCGAAAATTATCAGGAGAAAAATATTTTCAGCGTGGGTGCATAAATTGAAAGTATG  
TTAAATTCTTGGAGTCACTCTTGAAGGCATTCTTGTGCTAGAAAGCTACCTTTGTTTCTGCTTTATCGACTCAGA  
ATTGTGCTCTTGCCTTCTTCACGATTGTTGATTTTTTCACTAGTGTGGATCACTGTCCATGTCACCAACCGCTC

AAATTGAATGCTCTGATTCTAAATTTATGTCATTTAATAGTTGGAAAACACCTTGCATATTTGCAAGAGAGTTG  
AGTTTAACTTAACTCATCATTGGTTGCCCTGCTATCCTTCATTGCTATTATGGCTCTCCAAACGTATGCTCATT  
CCACCTCTTAGGACCTCACCCCACTGCCTTATCCTCCATACACTCTTCTACTCAACTAGTGAGATCCGACTCCCT  
CTAATTCTACCACCTCAAGACGACCCCATCTTCGTCTTGTGTTGCTCCAGCAGTGATGCTAATAGTAGTAAGAA  
GGGAGTACCGAATTCCAACATATGTTGTTCCACTCAACAAATCTTTTCCCCAGCTAACTCATCTTGCATCACTCG  
ACCCCTTGCTGAGATCCTCCGCGATCTAAACAAGAGAATCCCCGATAACATCGCTCAGAAAGCGCCTCATTCTG  
ACACACATGATCGTTCTCCCACTTTTCATCCCTGGGTTTCATGCTAATAGGATGTTAAGTTTCTATGCCCTG  
GATGGTGTGGAGAGATACGAGATGTCATATTTCTGACAATGGTAGTGTAAGTGTGCTTTATCGTGTGACTGT  
TCGAGGATCGGATGGAGAGGCACATCGTGAATCGACAGGAAGTGTATCGGCTACTGATAGCAATATTGAGGA  
TCCTGTAGCTGCTGCAGAGGAAATAGCTTTTTCGCAAGGCTTGTGCAAGATTGGCCTCGGTTTGTATCTCTATC  
ATGAAGAATGAATGAAGCAAACAACAGAATAATGCCAAGCTTCCGACGTGTAATAAAGTTTTTCGTTTCAATA  
TTTTGTAGAAATGAGTATAATCTTGGCCTTGACACTTGAGAGGTGTACAATAGTAGTTTTAGATGATTCCGTGG  
AGCTTGAACCTTAGCAAAGTCATGTGTGGATACTTCCATACTATGTTGCTGATTTATATCTTTTCGATT

>trans\_c\_700 NM\_001052776|Oryza sativa Japonica Group Os02g0204000 (Os02g0204000)  
mRNA, complete cds

ATTGAGATCATAATTTCTATTTATTCTGACCGTAGCTGTAGAGTTGACGGCAAAGTTAAACCGACGACCTATG  
CAGTCCAGCCTCCGATCTTCTCCAATCCCTGACTCCGTTGAGATCCAATTTTGATCGGATTCCGGTTCCTTCCAA  
TTCCTGGAATTAACCGAAAGCACAGTGAAAGAATTGGCTGCACGCAGTTTCGTTGAGAGATCGATAAACATGGT  
GACCGACATACTTCTTCAAATTGCTCTCATCTCGTAATGGTTGTCATGTTCTCGCTATGCACAACATTCCACA  
GAGATACTTCGCCAAGCTCCGATTGCGCTTCGATCCAACGTCGAATCTAAACGCCACTTCGTGAGAGGCGCT  
CAGCTTCTCGCTCGAGCGAGATCTGCTCCGTGCGCTCCTCGGCCACATCGTTAGCAGAAGAAGTCGTAGCGG  
AAGCCAATAAGGCCATAGCTCTCGACCCCAAGGATGCCGCCGCTCACATCCTCAAAGCTTTGGCTCTCGACGT  
TCAAGGGTTCAAACCTCTGCTCTGGAATCGCTCGATACAGCTCTATCGCCGCTCGTCGCTAAGTCGCTCAGCG  
ATGAAGAACGAGGCGACGCGTTGTTCAAGCGAGCTGAGTTGAAGATGTCCACGAATCGACGAGCCCTAGTTG  
ACTCGGCTTTGGCTGATTTGACCGAGTCCGTGACACTGAGTCAGAATGCAAATTCCTACTATTGGTTGGGGAA  
ATGCTATGAGATGAAGAAATTGAGAGAAGAGGCCAAGAAAGCATATGAAGAAGCTTTGAACATCGAACCAC  
GATTATCCAACGCTAGGGAGGCATTGGAACGTCTATCATCGTCGTAATCAAGCTGATGTCTACTGTGATCTAT  
GGAATTTCAACGCTAGAAGATAAGAGCATCTCTCAATTTTCCAGGTCCAAATATCTCTCCACTTTCGCTGATT  
CTTGCTAATGCCTTCCCTTAAGATGTATTACGATTGAGATGCTGAATTGGCTTGTGAGATGAAATCCTAGATGC  
GATTCCCATCTCCATGATAGGCGTTTGAATGGGGTTTAATATTTGCTTAGTTTCCTTGTCTTTGATTTAGTCTGT  
TGATTTACCGTAGTTTTAGTCAAAATTAGGGATTGGAACAAACCCAGAAAGGAAATTAGTAATTAGCACGGTT  
AATCTTCGATGTAGCTTCGTTCTCTGATCTTCAAGAAATGAAATTCGGAAGTTGTCAAGACGTTTATCTGATTC  
TGATTTTTGTAGGAAGACGACCCAAATTTGGCTTCAAATGTCAAATGAGTAATGAAAAATAATATTTTGCTTGC  
AGT

>trans\_c\_701 AY062812|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g33780; F14M2.10) mRNA,  
complete cds

TTACCTTAACTGTTAGCTGCTCATTGTTTGGCTTTCAATCTTCAATATATATCGCCTAAATATTCTCTCTATTTCT  
TCTTCTTACTCCTCTGGATTGGATCATCGTTTCCGACGCCTTCTTCCACCAAAAAAATCCCTTTCGGATATGGA  
TCTCTTTGCTGCCAATGTCAAGAACACCGCCGCCGCCGCCGCGCCACTCCTCCTTCTCCCTTTTCACTCAAACA  
CTCCTTTCCTGATAGACCCATTTCTTGCTCTCTGGCGATGACTTCGAGGAGATTCTCTTCTTCATATCCCTTTGGC  
GCTGAACTTCTCCGCTTGCTTGAGATCCGTGTTTTCAAGCCCAAGCTTTCCTCTCCCGCTTTTCTCGTGCGAGCC  
ACTGCCAAGAAGAATCACGACAATTCTCCATCTCCTGAAATGGAGATCACTCTGTTCTGGAGATGACGCTA



AATCAAAGAATATTTCTGATGGCAACGAAAGTAATGAACTTCTTCCAAGAAACCACATCATGTAAATTTGGA  
CTGGCGAGAATTCAGAGCGAACCTATTTGCTCGTGAGCAGGCAGAAAAGGTCTGAAGCTGATGTGGAAACCCA  
GACTGCAAATGCTCACGAGTCTAAGGGTCTTGCGCTGAAGTGGGCACATCCTATTCCTATGCCTGAGACTGGC  
TGTGTGCTTGTTGCCACCGAGAAGTTGGATGGTGTTCGCACTTTTGAGCGAACTGTCGTCCTTCTCCTCAGATC  
TGGAAGCAGACACCCTCAGGAGGGACCGTTTGGTGTCTGTGATAAATAGGCCACTCCACAAAAGATCAAGCA  
TATGAAACCAACCAATATTGACTTAGCAACTACATTTTCCGAGTGCTCTCTACATTTTGGGGGGCCTCTTGAGG  
CGAGCATGTTTTTCTGAAAACAGGAGAAAAATCGAACTCCATGGGTTTGAAGAAGTGATGCCAGGCCTCT  
GCTTTGGTGTCTGAAACAGCCTAGATGAAGCTGCAGTGCTGGTGAAGAAGGGAATCCTTAAACCTCAGGACT  
TCAGATTCTTTGTGGGTTATGCTGGTTGGCAACTGGATCAGTTGAGGGAGGAGATTGAATCAGATTACTGGTA  
TGTGGCAGCTTGTAGCTCANATCTAATTGGTGAAGCTCATCAGATTCTCATCAGAGGGACTATGGGAAGA  
GATTTTGCAGTTAATGGGTGGTCACTATTCAGAGTTGAGCAGAAAGCCTAAGCAAGATATGTAGTTTACTTAT  
CTGAAGGAAGGAAAGATTGAAAAAACTCCCAAAGTTCAAATGTGTAATCTACGTTAAAGCCAAATGTACAGA  
AAGTA

>trans\_c\_702 NM\_001058948|Oryza sativa Japonica Group Os04g0303900 (Os04g0303900)  
mRNA, complete cds

TCCAACGGCCGCTGCAATTGCCAATGTTGAAAACTGCCACCAATGCCCGCTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTC  
TCTTTCCATAAATTGACCATTTGTATCCCCTTCTTCGCTCTACCTCGAACTTTTTCTCGTTTCACTCCATCCCTTC  
GTAAGGATAATGTCGCCGGAAGAATCTCCAGAAATGGTACACGGTTCCGTTCTCATTTGCACTACTGCATCC  
ACTGAGCCTGTCACCACTGACGCCTCCATTGCATCATCTCCACATCAATGGATAAGGGCGACGATGATCCGG  
AAAAGAATATTAAGAATGCGGCCGACATGCTCGATATTAGGGTTGGACGAATCATTAAAGCTTGGAGACATC  
TGGAGGCTGACACTCTTTATGTTGAAGAAGTTGATGTTGGTGAACCCGAGCCGAGGCTTATTTGCAGCGGCCT  
TGTTAAATATATCCCTCTCGATCAACTTCTGGATAGAAGAGTTGTTGTCCTTGCAAATTTGAAGCCAAGAAATA  
TGCGAGGCATTAAATCTTGTGAATGCTAATGGCTGCTTCTGATTCTTGCACGAGAATGTTGAACCTCTTTTG  
CCTCCTGAGGGTTTCGATTCCAGGCGAAAGAATATGGTTTGGATCTGAAGATGAAAAAGGCAACCAACCTGAT  
GCTGCTTCCCCAAACCAGATTGAGAAGAAGAAAATATGGGAAATGGTGCAGCCTCATCTAAAGACTGACGGT  
TGTTGCACTGCTGTTTTGGGTTCCCATCCACTGAGGACTTCAACTGGTGTGTCACCTCCACCTCCCTTAAACAC  
GCAAACATCTCTGACTCTATCACCTCCTCCCTCACGGATTACATTGGCACTTATTTTTTTCTCTTGAATTTTTGT  
TCTATTTTGATACCCGGAACACAAACACGACAAGAATACATTTTACATAAAAGAAGGAATGAGATGTACAGT  
ACCTTGCAATCAGTAATCCATATTTGTAGAGTTGCACTGCTCATGAAGCTTCCTAAGATAGGGCTATGCTTCAA  
CAAACACTTTCCGTTTAAATTGAGCTTGTGTTGGTAGTGATTTAAAGTGACAAGGACTGGTAAATCATACAAT  
CTCTCTAGAATCTAATGACATCAAAATGGCTTTTTCTTATTTCTTTTTTTCTCCCGAAGAGTTGATGATTTGAT  
AATGTAATAAGGAGTAGGTGTTGCTGAATGTTAAACCAGGTCTTGTTGGATGGTATATTATTATAGTAATG  
TTATTGGGTAAAGAATGTATAAATAATCAATCACTTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_703 NM\_001054549|Oryza sativa Japonica Group Os02g0730500 (Os02g0730500)  
mRNA, complete cds

ACCCTCGTGAACCCAGGCAGCCCTCTCGCGCAACCCTCATTCACTCGCCGTCTCCTCCTCAATCTTCTTCAGTC  
TCCCAGTCTTGCACTACGCAAGACAGCTTAATCCCTAGGTTTCGTGGGTCTGCCGTGTGTTCAATTGTCGACGTC  
GTGGAATTTTTTAAAATATTTTGATGTCGGAAAGAAAGCCATAATTGGTCTCTCTTGGGAGCCAAAGCTGCC  
AGCCTCCTCATCGGGGATCAAACTAAAACCTGCGACAAATCTAATAATCAAGCAGAAAACGGTATTGTTGG  
AAAAGCAATTCAGAGCTTGTAGATGGGTATTTGTTCCACCAAACAACCCAAAAAAGTTGAATAAGTTATTG  
AGAAAGCAAGTCAGTGACACGGCTGGGAGGAATTGTTTGACATGCCAGCAAAAACCATGACCCCTGAAGTG  
GAAAAAGATTGCGCCTGTTGAAGCTGAGGAGTGTCATTGATCCAAAGAGACACTACAAGAAGGGTGATTTCG

AAATCAAAAACGCTTCCCAAATATTTCCAGGTGGGAACTGTGGTTGAGTCTTCTTTGGACTTCTTCTCGGGTAG  
ATTAACAAAGAAAGAAAGGAAAGCAACGCTTGCAGATGAGCTGCTATCCGATCAGGCTCTCACTCAGTACAG  
AAAACGTAAAGTTCGAGAAATCGAAGAACAGAATCGACCTGGTGGCAACGATAAATGGAAAATAAGGGGTA  
ATCATTACGAAAACGGGCAAAGGATAGGAGGAACTAGTTAAGCTTTCTCACAATTTTGACTTGTAAAGCCAGA  
TAAAAACGGCAGGATCAAAAATCAAGTTCAAGCGGGAATGTGACTCATTGTGATACAAAAGTATGCGAATTC  
ATCATTAGTACTGGCGGTTCCAACCTGATTTATGTGCTTGGTCAAATATTACCCCTTATTGAGTTGATTTGTAT  
TAGGAAATGCAATGTAAGTGAAGAAATTACTTTTATTGACAAAGAAAGTTAGGACAAAAGTGCTTTTTGAGGAA  
CGGACGTGCTGCCGTTCTGTCCATAAGCCATTGGGAATACGAACAAAGCATATGATTGACTTTTCTATGTGTGT  
TTAAGAAAGTTTTGTAGAGTTGAAAGGTTGAATGGTAACTATCTTTTAGAATCAGATGGTTTGATTGGTGACG  
ATTCTTGATTCCAAGAGTTATTTGGTTCAACTAAGTTTCAGTCTTTGATATTTATTACTTTGATAAGTTAATAAT  
TAAGTGATATAAACATTGCAGTATATATAATAGATATAAATTTACAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_704 NM\_100372|Arabidopsis thaliana TIC20 (TRANSLOCON AT THE INNER ENVELOPE  
MEMBRANE OF CHLOROPLASTS 20) (TIC20) mRNA, complete cds

AATCCAAACAAAACCCTATCCCCTCTTTGATTCTCGCACAGCTAGCTGCCCACAAGCAACACCGCCCGATTTC  
AGCAAAGCGATTCTTACCTGAAGCGATAATTCGGTAGCAACCCACGACCCTTATGGCCTAAAATCGGATTAC  
CCATATCCTGTAGAACACAGGTTGAGTTGCGCGATTCAAGTTTAAGGTTGACATTGGGAAACTTAGATATGA  
TTCTCAATGGATGCACCACCCCACTGGGTGCTTCTTCTCAAATCCAAGTTATCTATTCTAGCCGTTCTTCCA  
TCTTACGTAATCCTCGTTGCAGCACACAACTGCTAGCATTAGGAGTTCATGGGAACCTCATTTAAAGCATCAG  
ACATGTTACTATGGAGGTCTTACCCTTAAAGCTAAATGCTGCATCTTCCCCTCTCTTAAGCGGGGATCTAGG  
TGGGTTGCTAAGTACGATCCCAAGGTTACCTGGGAAAAAAAAATATTAGCATGACACCGCGGGCATCCAAAGA  
TGTCCTACAAGTTATCGTTACCCTCCAATGACCACAAAACCAAATGGTGGTGGAGGACTTTAGCATGCCTAC  
CGTATCTAATGCCGCTTCATGAACTTGGATGTATGGTGAAACAGCATACCACCTACACCCGTTCTTGAGGA  
CTTTGAATTCTTGACATATCCCTTCTCGGAGCCATTGGGAGACTACCAAGTTGGTTCTTGATAGCATATTTTTT  
TGTTGCCTATCTAGGAGTTGTAAGACGAAAGGAATGGCCTCACTTCTTAGATTTACGTTGTTATGGGCATGT  
TGATGGAGATTTCCCTGCAAGTGATTGGTACAATGAGTCCGTGGTTGCCATTCCGTCTATTGGGGAAAAC  
AGGGATGCATTTTGGACAGCTGTATGTTTCGTTACATGTTACGGTCTTGGAATGCATGCGCTGTGCTCTTG  
CAGGCATGTATGCGGATGTCCCCTTGTCTGCAATGCAGCCTACATCCAAATACCATTTGATTAAGAACTCTTC  
GGTTTATAGTCGTGGTATGAGTAGAATGTGATGTAGACATGTAGTTTGTCTACTGTGCTTTTGAAATGAACA  
TTGAACATTCTGAACTCTATCGACAATTTCTTAAGTTAGTCTTCAAACATGTATCTTTGTCTTTGTAGAACTGA  
GGATTTTGTATGGAAGAAGAGCTTTTGGGCGAAGTAAAGAAGGAAACACGTCCTTACGGGTGGTTAAAGCTT  
TATTATCATTTGCATTTTGTCAACTTTGTTATAATGAAATGAATTTGAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_705 AY039586|Arabidopsis thaliana At2g38310/T19C21.20 mRNA, complete cds

ATCTATTCGATTCTTAACCTCACACCCTTTAACTTTTCTCTCCATAATCACTGATTTTTAGATAGAGAGAGAGAG  
AGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGATTTGTCAAGAATGCCTACTTCCATTACGCTTCATC  
GACTCAATCCGGCCGCAATCCCGGCGGTGGCGTCTCCGCAACGACCATGAACTGTCACAGGAGCGCGGCGG  
CCGCAGCAGTGGCCGTGACGCGGGAGAAAAGGACCATCACCACCAGCAGTACTAGCATGGCCTCTTTGA  
CGGACGCGGCTCCAGTACCTGTGCCGACGCTGTAGCACGGCACCGCAGCAGCTCGGACCGGAACAGT  
GTTGCTCCGCCGTGATCCAGATCATCGACGCTCCAGTTCATACGGTGTGGTCTGTAGTGCGACGGTTCGATAA  
TCCACAAGCGTACAAGCACTTTCTGAAAAGCTGTGACGTAATCGACGGTGACGGTACCGTCGGTAGTCTCCGG  
CAAGTTCAAGTCGTTTCTGGACTTCCGGCTGCTTCGAGCACCGAACGCTCGAGATTCTAGATGATGAGAGAC  
ACGTGTTGAGTTTTCGCGTCGTAGGTGGGGACCATCGCCTACGAACTACCGATCTGTTACAACACTGCACGC

GATTTTCATCATCATCATCTTCTTCTTCATCAAACCAAAACGGATCCAGATCTTCAACAGTTGTGGTGGAATCTTA  
TGCCGTCGATGTACCACAAGGCAACACGAAAGAAGAAACGTGCGTGTTGTTGATACTATCGTACGGTGCAA  
TCTTCAATCTCTTGCACAAATCGCTGAAAACATGGCTAAGACCTCCTAATTATTTCAATTTTAAATTTAAACTTCC  
ATATCAATTTCTTCCCCTTCTCCTTCTTTTCTTTTTTGTGATACAAGTGCGGAAGTAGATTTTATTCGCACTATG  
AATCATTAGCCATTATTAACATCATATCTTCATGATTTGCATCATTTTTCTTCATATTTAGGTGTTTTTCCCCCT  
TAGAAACCGATGTTCTGCAGAATTATGTGCAATGGTTTGAAGGAGAGATTCGTACACCGAGAAAATCGCATCA  
CATGTCACTTCTTTTCTTGTCTACGAAAATTTATTGTATGTACAAATTTGTTGTTCTTTTTTGATATAGAATTC  
TCTCTCTGAAATTAGGCTTTGAGTCCGCGGCCATTTGTATTGATTATGATCAATGTGTTGTTGTTGTTGTT  
GTAATTAATTTTATGTTGGTTAATACGTAAATGTGGTTATTGTATTTCCAGCTTCATGCATGTGTTGTT

>trans\_c\_706 U58971|Nicotiana tabacum calmodulin-binding protein (TCB60) mRNA, complete  
cds

TTTATGTAGATACGTTAGTGAATAAAGCATATGAAAATTGGAATCAAGTTGTAGAGTACGATGGCAAGTCACT  
TTTGAGCTCTAAGCAGCCTAAGAAGTCAAATGCATCCCGAAATGACTTTCAAGGTGGTCATCTTGATCTTTCTA  
ATACTCTAGATCACGGATCATTGGCCCGCATGCCAGTGTGAGTTCAACCTCAACAGCCTGTTGTGGATCCAGG  
ACTCTCAGTTGCAGGGTATAATGATAGTACAGCCACAAGATATTCAACTCAGCCTCAGTTTGTGAATTCAACTT  
CTCGGCCACAGTTTGACAATTCTCCATATACTTCTAATGAATTGGTGGGCAATTCTAACCAAGTTCATATTGCG  
AGAAATGACAATAGTGCTTTTGGTTTGGCTCTTGGTCTCCACAAGCATCATCTTCAGGGTTTCAGGCACTCGG  
TTCTTCAATGCAGGAATCTAATCTGAATCCATTTGATTGGTCTAACAAATAGGGACAAGGGAGTTGACGACTTCT  
TTTCAGAGGATGAGATTCGTATGAGAAGTCATGAAATGCTTGAAGATATGCAACAATTGTTGCGGAT  
GTTTAGCATGGGAGGGCATGCATCTGTTAACGTCCATGATGAGGGTTTTTCATTCCCATCATTGATGCCTTCAC  
CAATGCCAAGTTTTGACGACCGTAACCGATCTGGTAAAGCTGTGGTGGGTTGGCTGAAGATCAAAGCTGCAA  
TGAGGTGGGGATTCTTCATCAGGAAGAAAGCAGCTGAGAGACGTGCACAGATTGTCGAGTTGGACGATGAA  
TAGAACTGGGTTAGTCGGTACAGTTCAGACTGTTATTTGAGCTTCTCACTCACTTTATCATTCTGTAGATCTTG  
GAATTCTTCAAGTAACTACTCGTGCACTTTGCGTCTCGCTGGATCAACTCGAAAGGATATCTTTTGTATCTGTAT  
AACATATTAACAGCGGAAGCTACACTTGTGTACAGATTCTGTACAGTGACTCGTTCTGTTTGGTAGTGACTT  
TATTTAAGATGTTTTCTGTATCATTCTACCTTTGATAGGCCAAGAATATGTTTGCCTTGGCCGGTGACAGGG  
TAAATTTCTTATTTATATACCTTTTCTTAATGTTGTTGATTGATTAGAATCGAGGATTCCTTATAGTTTTCTG  
TTGCTTTGAAATGTTTCCAATTACTGTATGAGAGATGGTTCAGTGACTAATGAATAATCCATGTTATTTTTAGTT  
GGTTGATAATGCATATAAATATAATTGTTCTGATTTATTTGCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_707 XM\_002892437|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ClpP protease complex subunit  
ClpR3, mRNA

CTCCTTACATTTCTCATTTCTCTAAGAAAACCTCAGAAGAAGCTAAAGAAATCCAAGAAAAATGGCCATTGGGA  
TGAAGCTCCCCATGGCCGTTACCTTGCAAGCCAATGGCTATGGCTATGGCGGCTCCATCTTCTCATCTTCT  
CTCCATAGAGCCATCAATTTTCAAGACTGTTTCTGCTCAAACGCTACAAGCAAAGCTAAAATTCCTATGCCTCC  
AATTAACCCGAAGGATCCATTTCTTTCGAAGCTCGCTCAGTAGCTTCAACCTCACCTGAAACGTTGCTTAACC  
GCCCTGAAAATTCCGATTCTCCTCCTTATTTGGATATTTTTGATGCTCCTCGGCTTATGGCTGCACCTGCCAAG  
TCGAAAGATCAGTTTCTATAATGAACATAGACCGAGGAGGCCGCCGAGACTTGCCGTCTTTGTTACTTCAT  
GGAAGAATTGTTTACATCGGAATGCCTTTGGTTCCAGCTGTTACGGAGCTAATTGTTGCTGAACTGATGTACTT  
GCAATGGATGGATCCAAAAGAACCAATATATTTACATAAACTCCACAGGGACAACCTCGTGATGATGGTGAA  
ACGATAGGGATGGAGACGGAGGGTTTTGCTATCTACGATGCTATGATGCAGTTAAAAAATGAGATACACACA  
GTAGCTGTTGGAGCTGCCATAGGTCAAGCTTGTCTATTACTTGCTGCAGGAAGTGAAGGCAGACGTTATATGA  
TGCCACATGCCAAAGCGATGATACAGCAGCCCCGTGTCCCTTCGTCTGGTTTGATGCCTGCTAGTGACGTTTTA

ATTCGTGCAAAAGAGGTGATAACAAACAGGGACACACTAGTGAAAACCTCCTAGCAAAGCACACTGGAAATTC  
AGCCGAGACAGTATCAAATGTGATGAAAAGACCGTTCTACATGGATGCGACATTGGCCAAAGAATTTGGAGT  
TGTTGACAAGATTCTTTGGCGCGGTGAGGAGAAGATTATGTCTGCTGTGGTTGCCCCGAGGATTGGGATAA  
AGGAGCTGGCATCAAAGTTGTTGATGAATCCTAAATCTCCTCTCCATTCATAGCAATTGGCGGCAGAGGAAGG  
GAATGCTTTGAATTTACTTCAATATTTCCACGTTGGATTACACAGAGTCAACATCATCAAGGGAACCATTATTA  
TTCTGCTCCAAAATTAATCCCACCCTCATACCTTACCCATCAAACATACTTTTTGGGGTTTGTGTAACATCTACA  
AACTTTCTTCCTTCATATCCTTTGTTAAATGAAAAAAATATATCTTAAATTANAACCCAAAAA  
A

>trans\_c\_708 EU082202|Torenia fournieri phospholipase C (PLC1) mRNA, complete cds

AAAATTAATACTACAATTGAAAACTATAGTATTAGTTTCCCTTAGGCAAAAGGGAGTGTATGTTTCGAGAA  
ATTGAGAAGGAGAAACAGTAGAATCTGATCTGATGAAGATTTAAGATGTCTAAAGAAGAGCCACCACCTGAC  
GTGAAGGAGGCGTTTGTCAAATATGCTGGCGGTGTTGCCGCAATATGACCGCCGAGCAGCTCCGATCGTTTC  
TCGTTGAGTTTCAAGGAGATCAGACAGCGTCACTGGCTGATGCTCAACGTATTGTTGAACACGTGCTGCAGCG  
ACGACATCACGTGATCACCAAACCTACCAAACATTCTCTCACTCTTGATGATTTCTATTACTATCTCTCTCTATG  
GATCTGAATCCCCCAATTTCCGATCAGGTTTCATCAGGATATGAGAGCTCCATTGTCTCATTATTACATTTACACT  
AGTCACAACACTTACTTGACTGGGAATCAATTGAGTAGTAATTCTAGTGATGTTCCAATTATAAATGCACTGAA  
GAGCGGCGTGCGAGTTGTGGAGCTTGATTTATGGCCAAATTCTGAAGAAGATGAAATAGATGTTCTTCATGG  
AAGGACTTTGACAACACCTGTGGAATTTGTTAGATGTCTGAAATCTATTAAGAGAATGCTTTCATAGCATCTC  
CATATCCTGTCATAATTACTCTAGAAGATCACCTTACTCTGATCTTCAAGCTAAAGCAGCAGAGTACATAAAG  
GAAACATTTGGAGATATGCTGTTCTTTCCTGAAGCAGAATATCTACAAGAATTCCTTCTCCTGAAGAATTGAA  
GTATCGGATCGTCATTTCAACAAAACCCCTAAAGAATACCTCAGATCCAAAAATGTGAAAGGAGAGAATTCT  
TTCAGTGATGATGAGACTGATGATGAAGATGGGGTTGATACGAGCGAGAGTGAATCCAGCGAGAGTGATGA  
CAGTGATTACGAATCTTACACTACAGGTGTATCAGAATACAAACGTCTAATCGCCATTCATGCTGAAAAACCG  
AACGGAGGTTTGAAGGAAGCTCTAAAAGTTGGAGCTGACAAAGTTAGACGCCTTAGCTTGAGTGAAAAGGCA  
CTCAAAAAGGCACTAAAGCTCATGGAATGGATGTTATTAGATTACCCAGAAAAACATGTTAAGGATATATC  
CAAAGGGAACCTCGGGTAAACTCGTCCAACACAAAGCCACAAATGCTTGTTACATGGGGCCAGATGGTTG  
CTTTCAATATGCAGGGACATGGAAAGTCTCTCAGCTTAATGCGTGGGATGTTTCGATCTAACGGAGGTTGTGG  
TTATGTG

>trans\_c\_709 XM\_002878754|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADP-ribosylation factor 3 (ARF3), mRNA

CACCGTAGCGGGAGCAATACGGCCATCCAAAATTTTTCTTCTGTTACCCAAAATTTCCAACCTCATTTTTTAG  
AATTGCGATACCAATTCAAGTACATCACCACCACTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCACTCTGACTCTTCTC  
TACAACGCCACTTCTTTCTCTAGATTCTTCTTCAATTCACAATCCTCCCTCATAACAACGCAGGTGTCTATCATC  
TTCAATTTCCCATATTTTCATTTGTCACCTTCTTTTTCAATTTTCATTCTCTACTTGCTTCTTTTTTTTCAGGGATGT  
ATTGAGCCTCTGCGTTTGAGATCTGATCCTTAATCTATCTATAACTATAACCCATCATTTTTTTTCTTCACATCA  
TGGGGATTTTGTCTTACTCGAATGTTTTCTTCGCTTTTGGAAATAAGGAAGCTCGGATCCTGTTCTTGGTCTCG  
ATAATGCTGGAAAACTACAATTCTATCGGCTTCAGATGGGGGAGGTTGTCTCCACTATTCCAACAATTGG  
GTTTAATGTTGAACTGTTCAGTACAATAATACAAATCCAGGTCTGGGATCTTGGAGGACAGACTAGTATC  
AGACCATACTGGAGATGCTATTTTCAAATACGCAAGCTATAATCTATGTGGTTGATTCAAGTGATACTGATAG  
GTTGGTGGTAGCAAGAGAGGAGTTTCATGCAATACTTGAGGAAGAAGAGTTGCGGGGTGCAGTTGCTTTAGT  
TTTTGCAAATAAGCAGGATCTTCCGGGTGCACCTGATGATGCTGCAGTCACGGAGGCTTTAGAGTTGCATAAG  
ATTAAGAACCGCCAATGGGCTATATTTAAAGCCTCCGCTATAAAAAGAGAAGGTCTTTTTGAGGGATTGGTTA

ACACCCTGAAGTCTGGAGGTGGCTAATTCTTAGCAGCCAAAAATGAATATTTGAGGCACCCAGTTGGAGAATA  
CGGTGTTTAAGCGTTATAACTTGCAGGAGAGAACTCATTTGCCGATTGATTTTCCAGTTTTACTTGTTTTCTTAG  
TCACAATTTTTCTTAAGGGAACGAACTATTGGTATACATGTAAAATTGCTTTCATTAAAGATGGTGACCACTGA  
GTTTTACCGACTATTTTTTTTTTTGTTTCCCATCTTTAGTTGCTGTGGTTTGAAGCATATTCGTTAGTGTTACATC  
ATTTCTGTATCANGGATTGTCTAAAGATTGAACTTAATCACTATTCCCTTGAAGAGGATATTCTCTCTGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_710 NM\_001125539|Arabidopsis thaliana CPuORF25 (Conserved peptide upstream open  
reading frame 25) (CPuORF25) mRNA, complete cds

AAGGAACATCAATTATCAGTTCCTCGCAGTTTAAATGGAGTTCATCTCTCTGTTGTTATCCCTCAGCCAGTGATGA  
TGCAGTCAATCTTATTGCATCACTTTGTTTCATGGGATCCGTCCAAGAGACCAACTGCTATGGAAGCCCTCCAAC  
ATCCCTTCTTCCAAAGTTGCTACTATGTTCCACCGTCTCTTCGTGCTAGAGCACCAATTACTCGAACCCCTCCTTC  
TGCTGGAACAAAGGATCTATTGGAGCAGCAAAGTCTAAAAAATATCCTGTGGCTTTATCTGATTCAAGAATT  
GCTGGTAATTTCTCTCTCCGAAGCTGCCTGCGATGTTGAGCACAGGTGTGCAGAGGAAGTTGGATCTGATGA  
ACCAGGATTTAAATAAGAATGATAAAACCATGAAGAGTACAGTTAGACAACAGAAAGTACCGACCGCCTGTGA  
GGAATAGCCCTACCAACTCTATCTACAAGGGAATAACGCGCGTGGAGTTTCAGATACAGGTGAAAAGTTGG  
CAAACATGACAATCGCCCTCGCAAGCCGACAATTGGGCAGCTTCCTCGTCCGATGAAAGCAGGTGTTCTGTTG  
GAGCGGTTCTCTAGCGATCTGTTGATAAGGCCCGCTCAAGAGTTCCAATCTGGCAACAATTACCCAGGAAG  
GTTGCTGGCTGATAGGCCCTTCCTCTCGTTATCTGTTGTTATGGGTTTTTTATGTTTTGTGCTTCGAAGAGA  
TCGTATGCAATGCCACCCCCCTCCCTCTGGGAATTTATGTAATAAGTGATGCCTATGCTGACTCAGTTTGTTT  
TTCCTGTCTTGTGTTGCTACATACTTACGTTTGCCCTGTGAAATAGAAGATTATCAGTTTATTCTTTCTCTGTTG  
CCTTAAAGAAGGCTCCTCCTCTTCTGCTAATCATGGAATAAGTATATCAAAATATGTACAAATGTGCAGAC  
TACTTGTTAGACCTTGTAAGAAAGTGAATGGTGAGAAGTCTTTGTGTTTTGAGACGATGGAAGAGTCGTGG  
GAAGAGGGTGGAGATGATAGGGCCAAAAATTGTCCAACCTTCCTTTGGGTAATTGAACAAAAAGTGCCAAAT  
ACTGCCTAGCCCCTAACTCAACCCTAACCATTTTAACTCTGGTTGGGTAGTTTATGGTTTATATTGTTAGGGTTA  
CTGGGTATGATAGTCCAACCTCTCTTGTAAATTCTTTCGTAGTTTAGATTGGATATGATTATTGTTGCTATGTT  
CTTACACGTAGAAATATAATCATTAAATTCGATATCTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_711 NM\_115651|Arabidopsis thaliana tubulin-specific chaperone C-related (AT3G57890)  
mRNA, complete cds

TCTGATCTCAAAGGTTTTTCTGTGAAGGTGCTTAACAGTCATGAATCTGTAATTTACATATTAGCACCTTTGAGA  
TATGCCACAATATATGGATGTTCTGATACTACCATTTGACTTGGAGCAGTTGGAAGGCTGTTAGAGTTGAAC  
ATTGTGAGCGAGTTCAAGTTAATTACAGTTGCAAAAAGAGTTTGCAATGCAAAGTGTGAGAGTGTTTGTGTTTT  
TTGGGGGTTAATCAACGACCACTGATTGTTGGTGATAATCAAGTTGCAGGTGGCACCGTATAATACATTTT  
ACTCTCAATTGGGGGAACACATGAGTGAAGTTGGGGTTGAGGCAGCTCTGAACAGATGGGATGAACCACTTG  
CCCTTGGTGTCGTAGATCCACACGATTCATTATCTCATCTGCGGGTGTTTCTGATGTTCAAAGTGTGACTGCT  
ACATGTCTGGATCTGACCAAGTTCACAAATTTTTTATTCCGAACTGGGTTTCTGGTGAAGTTCCTGGAGCTAC  
CGACTGCAATCCATTCCCATTGCCAGATGCTTATTTGGCATCTCTTGAGAGGAATAAAAAGACCTTGGGGGAA  
GTAAAGCAAATACTAAGAGAAACCCCACTTGAAGAGAACCGCAAACGAGAATTATCTTCTGCCCTACATGTAT  
ACTTCAAAGATTGGTTATATGCTTCAGGAAACATCCGTCAGCTTTACTGCTTGAAGGTGACTAATTGAATTGG  
GACTGACAAAGGTGGGTTTTACGGTCATTTATGATGGTGGTAAAAGCAGGGTTCCTTCTCTTTTTTTCTTTA  
ATGGTTTCTTTATTCAATTGTCAACTAGTTATTTCCGCCAATTCCTTTTGGTACTCTACTTGCTCTAAGTAGTTG  
AGAGCTAAACGCCCTGCACGCGTGGTGGGATCAGGGAAAGAAAAGGAAAAGAAAAAAGATCATTTG  
CTAATCTCTCAATTGTAATTTTTATGGGGAAAAAGAAAACGAATAATGTCTCTGTAATATTTTAATTTATCCCAT

GCTTCCTTTCTCCCTCCAGCTTTTCCCTTATTGATTTTTAAGCTAACAGTTGAGTTTTGGTTGTGGTTTGAGTCC  
TTAGTTTTCGTTTTCTCCCAAATTCATGGTATTGAGTTGTAAAATGTAGGCTCTGATGAAGCTAAGAATTTA  
ATTGAAAGCATGCGTGGTTGCTGTAAAATATAATATGTATTTTTGTAATTGAGTTCGGTTGGCNAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_712 NM\_001056127|Oryza sativa Japonica Group Os03g0255200 (Os03g0255200)  
mRNA, complete cds

GGTTTGTCATTTTGGTGAAAGCAGGGTTTAGTTGTTGAGTAGCTCTCTAGGTCAGCGTCTTCCCTATCCTTTTA  
GCGCACAAACATTTGAGATCGACCAACCTCAACACTCTGCTTATCGGACCTCCCTCCAATTCACTTTCACTTTCA  
CCTTTACCTTACCCATGAGCTGCTGATTCTGTGGCTTGGAGAGTACAAACATACCAGTAGTGATACCGTGTGG  
CGCTAAGGACAGAGATTTTCATATAATGATTTTGTCTGGATTGAGTGGCAAACCCTCAAATGTTGTCTTCTGAG  
ACCTAGTGCCAGGATTCCACGTGAGCTGGTTTCATCTTTTCCAATGGGAACCTTAGAGAAAATATTGATTTGC  
AATATCTTAAAGAAGTTGCTGGACGGGTCTGCCCTTAGATGTAAACTCTCCAGATTGACACACTACTAA  
GTGTGCATTTGATGCTTCTCCGAAGATTTTGCAAATGATTCTGCCGCTGTATCCCTCGAATTAATGTAAGGG  
ATCCATACAAACGGCTTGGCATAAGTAAGGAAGCATCTGAAGATGAAATTCAAGCTGCGAGAACTTCCTTAT  
CCATAGATACGCAGGGCATAAAGAAAGTGTTGATGCCATTGAATCAGCTCATGATAAAATTATTATGCAAAAG  
TTTTATGACAGAAGGAACCCAAAAAATTTGACATCAAGAAAAAGGTGAGGGAAGTCAATCAGTCTCGGGTTG  
TGCAGGCTATACGGAGCAGGTTCCAAACACCTTCTACAAAGTTCATAATCAAGTCATCAATTGCATTCTTAGTT  
CTTGAGTTCTCACCATTCTCTTCCAACCGAGGAAGGTCCAACCCTTCAGTTGCTATACACTTCTAGCTACT  
TTCTATTTCATACATGATCGATTGAAGAGCAAACCTCGAGCATTCCTTATGGGGCTGGAGCTTTCATCTTCTCA  
TGGCTCGTGGGAACCTTTTTGATGGTATCTGTGATTCCCCAGTAATCAAAGGACTGAGAGGCTTTGAAGTAA  
CTACTTCATTAATAACCCATATCTTACCTCTAGGTTTCATCTACATATTTAAAGTACCAAAGCAAAGTTTTTCTTC  
TACTGTGACACTCCAATTTTGCTGCGGTGAGCTTCTGATTCAAGTGTCTGCTTCTTGACCCTTGGGTGCGTTA  
ATGGAGAAGATAGACGAAATTGAAAGGGTCTTTGTTTTAGAATTGACCGGAATTGAAAAGGATGTAAACTA  
TTACAGTTGGAAACCATAGGTTAGCTGTTTGTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_713 NM\_101060|Arabidopsis thaliana SEC22; transporter (SEC22) mRNA, complete cds

TGGCGAGAGCAATGGCTTCATTTTAGGAGAGACTCGATCGGATTCTGAGCTGCTCACACCGTGGTCAGTAATC  
CCATCCCATCCAATTCCTGTCTTTCACGAACCCTAGCTTCTCTTTCTTTTCAGATTCTTCCATCGTCATCAGGTT  
CCTCGGATCTTTAAAAGAGAATCCCCCAATGATATAGCCTGTTGGGGGACATATCAAATTAAGATGGTGA  
AGCTTACAATGATTGCCCCGTGTTACTGATGGTCTTCTCTAGCAGAGGGACTGGATGATGGCCGTGACATGCA  
AGATGCAGAATTCTACAAGCAGCAAGTGAAGGCTCTGTTTAAAACTTATCAAGAGGTCAAATGAGGCTTCA  
AGAATGTCTGTGAGACAGGGCCATACGTTTTTCATTATATAATTGAAGGAAGGGTCTGTTATTTGACTATGT  
GTGACCGTGCTTATCCAAAGAACTTGCTTTCAATACCTTGAAGACCTGAAGAATGAGTTTGAACGTGTCAAT  
GGGGCTCAAATTGAAACCGCTGCTAGGCCTTATGCATTCATTAAGTTTGATACATACATACAGAAGACCAAGA  
AATTGTACCAGGATACACGCACTCAACGTAATATTGCAAAGTTGAATGATGAGCTTTACGAAGTCCACCAGAT  
AATGACTCGGAATGTTCAAGGAAGTTCTTGGTGTGGTGAAAAGCTAGACCAGGTCAAGTCAAATGTCAAGTAG  
GTTGACATCAGAATCCCGCATATATGCCGACAAGGCGAGAGATTTAAACCGGCAGGCTTTGATTCGGAAGTG  
GGCACCCGTTGCTATCGTGTGTTGGGAGTTGTATTCTCTCTATTCTGGGTCAAATCAAAGATCTGGGTGATTCAG  
TTAATCTTTTAACTCATTTTCAGGCTTCTCTTTGCTTTTTTAGCTTTGGCTTAATGGATTGAGATATCAGAGACT  
TGAAACTGAGCTAGAAGTGAAGTCTAGATTTTACTCAAATGGCTAAGATGGGATCAGAAAAATTAGTGTTTTG  
GTTTACCTCCAAGTGGGGCGGTGCTGCCTGTACAAGTGTAAGAGCGATGTTAAGCTTAGTATTCCAGATTAAG  
TAGACAAATACTTTACAAGTTTATTACATTTTGGTTACCTCTTCTCCCAATATACATTTTTTGTTCCTTATACAT

TGAGAAAAAATACCATTATATTTATTATATTAGTCCATCTTCCTTTGGCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_714 AY094011|Arabidopsis thaliana At1g50380/F14I3\_27 mRNA, complete cds

CAAAACAGCATATTTGGATACTTAGGAGAAGCTTCATTCTCTTTATCCCGTACTCTACCTTTGCGCGGCACTAC  
CGTCGGTAGCTTCATTCCGTCACCTCCGATCACCGGTTGCTACAATGAGCCAATCTCACTCTCCTCCGGTCGCC  
AACAAGGTGGAGCATAAAATGGAGTTGTTGCGGAGACGTAAGGATCGACAACCTATTACTGGTTACGTGACGAT  
TCTCGCAAAAACCCNGATGTTCTTCGTATCTGCAGCAGGAGAATGCCTATACAGATTCCGTCATGTCCGGTG  
AACTCTAGTTTACATTTTCATCTCGGTTTTTGAATTTTTTTTGGTTACTACATGAGAAATGTATGAATCAGTGAT  
ATGGTAGCATTGATTTGATTTGAATGAGAGTACCGTCGTTTGATTTATCGATTGCGGATGATTTGTGTGAATG  
TGGATTTTTTTTTATTAAACGATCTAGGAACAAAGAAAGTGGAACAGCAGATTTATAGTGAGATAAGAGGACG  
AATCAAGGAGGATGATGTAAGTGTGCTGAGCGGAGAGGTTCTTACTATTACTATGAGAGGACTTTGGAAGG  
GAAGGAATATGTTCAATATTGTAGGCGTTTTGTTCTCGTGGTGAAGAAGAAGCTATCTCTGTGCACGATACC  
ATGCCACTGGACCTAATGCTCCTCCAGAGCATGTTATATTGGATGAAAATGTCAAGGCCGAGAATCAATCTT  
ACTACTCCATTGGTTGCTTTGAGGTATCGTAAAGACGGAAGTCTTCAGAAATTTGATCATGTTTTCTCTGGAC  
ACAATTTTGATTCAAGGATCTTTATTGTCGTTTCTTATCCAGGTAAGTCCAAACAACAAGCTAGTGGCGTATGC  
AGAAGACACTAAAGGAGATGAAATCTATACGGTTTATATAATCGATGCCGAGACTGGAGCTCCTGTGGGAAA  
GCCTCTTGAGGTGTGACCTCGTATCTCAAATGGGCTGGTGATGATGCTTTAGTTTACATCACAATGGATGAG  
ATTCTTCGACCTGATAAGGTGATTTACTGATTTTCTACCCTACATTCTGTACTTCTCATGGCTTTGACTGTTGTCT  
CATGAGAAAAACAATTACAATCATGGGGCCTATAACACGTCTCTTAAGTGGGATTGAAATACAAAGAAGACCC  
AATAAGTAAATCAATTTTAATTATTGTTGATTGTTCTGTGCATTCAAATCGCCTTCTAATGATATAGTAGGTT  
ATTTAACTAAAACGAAAATACCTTACATACCATTACAATAGCTTGCACTTCCTCTAGTTTCTCATTT

>trans\_c\_715 NM\_116142|Arabidopsis thaliana AtATG18a (AtATG18a) mRNA, complete cds

ATCTGAATCTCAATTCCTTTGATTCCCTCTAATGGAAACCCTCTCCGCTTCCCTTCCCTCCATGGCCCAATCCC  
AATCCCAATCCCAATCCCAATCCTAACCCTCCCTCCGCCGTCGCCGACTCCTCCTCCTCCGAACGCTTCGATTCC  
GATTCCGTTTCATCGGTGGACCCGACGGGTTGTCCCGCGCGGTTGAACCTCCTGCTTCGCAGCCTTCTCTGCT  
ACATCTCTCCTTCAATCAAGATCATGGCTGCTTTGCCGCCGGGTCTGACCGTGGGTTTCGGATCTACAATTGCG  
ATCCCTTCAGAGAGATTTTCCGGAGGGATTTGACCGTGGAGGTGGTGTTGGTGTTGAGATGCTTTTTTCG  
ATGTAATATTTTGGCTCTTGTTGGTGGTGGACCCGACCCTCAGTATCCGCCTAATAAGGTTATGATTTGGGATG  
ATCATCAGAGCCGGTGTATTGGGGAGCTTTGTTTTAGGTCTGCTGTTCTGTGGTGTTCGTTTACAGAGAGACAG  
GATTATTGTTATTTTGGAAACAGAAGGTTTTTGTTTACAATTTGCGGATTTGAAGTTGCTGCATCAGATCGAAA  
CTATTGCCAACCCCTAAGGGTCTTTGTGCTGTTTCCAGTTGAGTACTTCACTTGTTCTTGTGTTGCCCTGGATTAC  
AGAAGGGACAGGTTAGGGTTGAGCATTATGCCTCTCGACGGACTAAGTTTATTATGGCTCATGACTCGAGGAT  
TGCTTGCTTTGCACTTACGACCAATGGGCAGTTGCTTGCTACAGCTAGTACCAAGGGAACCTTGGTTCCGATAT  
TCAACACATTTGATGGAAATTTACTTCAAGAGGTAAGGAGAGGGGCGAGATAGAGCAGAGATATACAGTTTGG  
CTTTCTCATCGACTGCTCAATGGCTGGCAGTCTCCAGTGACAAGGGCACCGTTCATGTGTTACGCCTTAAAGTC  
AATTCTGGATCTCTCGGGAATGATATGACTCATCAGAACGATTCTTCTTTCTGTGGCACCATCCGGTTCCTCA  
TTTTCTTCATCAAAGGTGTCTTGCCAAAATATTTCAAGTCGGAGTGCTCAGTCGCTCAGTTTCGGTTGCATGA  
AGGCTCTCAGTATGTCGTTGCTTTTGGTCAACAGAAGAATACGGTTGTAATCCTTGGAATGGATGGAAGCTTC  
TACCGATGCCAATTTGATTCCGTGAATGGAGGAGAGATGACACAGCTTGAATATCAAACTTTCTAATGCCGG  
AGGAAGCCTTCTAGCCCAATGTTCTCTTTATTTCCGGTGATTCGTATGGATTTCTTTTCTCTG

>trans\_c\_716 HM122495|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L21)  
mRNA, complete cds

ACACCATATCTTCCATCCCACCACATCCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCATTTATTTCTCTGTGCGAA  
TCTTACCCACTCCATAACCAGTAAAGGCTATGGAAACCCACCTCCCTCTTCTCTGCCCCCTTCTCACTTCTACACTC  
TGCTTCTCACTGCCGCTGCCATAGCCTTCAACGCATAGCTTAGCCCTTAAGGGCACTCCAGATTCTTCAACCCTC  
ATATAAGGAAAAAGAGTGATTCTTTGTTTTTGAAGCCTCTGGTTCTTTACTTTACGCGCTATTATCCAAACAT  
GGAACTTTAAATTTAAACCTCGAAGCTGCAAAAGACTCAGAGCCCAGCAGCAGTCAAGAAGCAAATCCTGAT  
CACTCCAACACTGCCACTACCACTTCTTCTGTTACCAAGTTTGAGTAAAGTAGTCGTTGCTGATACAAGTCCC  
CTTTCACCTGATTTGACACTGCAGTTTAACTCCAACGATATCGATTCAAAGGGGGGATGGCGAGATCAATGGGG  
AAACAAGCAGTAACAAATCTCCATCTTCAACAATACCAAGAGTTTTCTCTTGCAATTACTGTGACGCAAGTTC  
TTTAGCTCGCAAGCACTTGGTGGGCATCAGAATGCACACAAAAGGGAAAGGACAATGGCTAAACGTGTGACA  
CGGATGGGAATGTTCTTCGACAGATACGGTAGCTTGGCTTCTTGCCACTCCATGGCTCAGCTCTTAGATCCCT  
TGGCATTGAAGCTCACGGTGCTCTACACCAAACAGTTGTAGCTTCAGATCAGAGGCCTTATCCTGGTAGGAGT  
ATCGGAGCAAAGTTCGAGCAAAGCTCTTTGGGTTCCCAACATTCATCGAGGACTACGATGATGATGTAGGGA  
TGTTTTGGCCCGGAAGTTTTAGGCAGGTGGCTGCCAAAGTTGATAGCAGCTTAGGTCCTTTGAAAACCCCACT  
TCAAAATTCAAATCCAGAGTTTGGGAAAACAATGCCTCCACCAAGAACAGGAGCAACATCATCACCTGATCTC  
ACTTTGAGGCTTTAGTAAGTAATTTTCTTCTTTGATGCCTTCTCCTTAATGTATCAACTTTTGAAAGTGGTAT  
GATGTCTGCCATTGTCTGCCATCTTTTTAGTGGCTCTAAGCTTAAGAATTATTGAATAAATCTTCATTTTTTTTT  
TTCTCATTACCTTTACCAATATCCAAGTCTTAGCTTTTTGGTCCCTTGATTCTTTTTCTTCCAATTTTTGTCCAT  
GAATTCCAAAAGCTTCTATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_717 BT010712|Arabidopsis thaliana At1g20770 mRNA, complete cds

AGGCTCTAAATATATATTATATTTTTTTTCGTTTTAATGTTTTTTTACCATTAAACGGAAGTTCTTTTTACCGTC  
GACTGCGCAGCAGCAAAGGTTCTTCTCACTCCTCGATACTCGTTGTCTTCCCTCTCTCCTTCAACCCCGATCTTC  
GACGCTCGCTTCTCGCCGTTTCATCCCCGTTTTGATTTCAAATTTGACGCTTCAAATTTCAATTCGTATCCTTGTT  
CTAATTCCTCGTTCTACTTGAAAGTCATTTCACTAGGCGGCAATGCATTTGATCTTAATCCGAGGTTCTGTTTT  
AGAATCTGATGAACCTTCGATGAAGAAAACCAAGACCGATTACTGGATTCCGAAATCGAATCGGAGGAAGA  
AGATGGAGTTGAAGAAACGCAGCAAGAACAGCAAAATCCCCAACGTCAAGATCAAGAACTCTGTTTGCTCCA  
ATTTATGGACTCGACGGATGATTATCTGAGTCTCCTAGATGCATTGTCCACAACACTACGAAAGGGATGGTTT  
GAGCTGGCGAGCGCAAGACATTCTATGGGTACTTCTCGCATAAGCACTGCATTACTGGACTTGAAAGTCCATT  
CTGCCGCTACATCGCTGAGGGTGGACGAACGAGATGATGGCTCTATAGGAATGCAGCCATTCATTAACCTGA  
GGAAATGGACATCCTCTGAAGGTGGAGAGTGTTTGGGGGAAGAAAAGTACAACGACAAATTGCAAGGGGAA  
TCTGATAGTCCACAGCTACGGCAGCGCAACGTTTCTGATCTTTCCGATAATATGGGGAAAAGTTCTTTAAAGA  
AAGAAGATGCTCTCATCATTGATGATCAGGTACAAAAGGAACGATCACGGACACTTTCAACGTTTGGAACCTC  
AGTTTCCCCGAAGCTTCGATTAGCTCAACTTTCAATTTGAAAATGCACTTGAAATTATAGTGGGAATTGCAAATA  
AGCGTATTGCAATGTTATCTTCTTTGATAAAGTCAAGAAAGGATTGGAAGACACACATCTCCCTTCAAGCAA  
GTGAAGCAAGAATTGGAAGAAAACCAAGTAGGAACAATCATTTGTTGCCCTTCTGGTAAACTTTGTTGTAAT  
TTCCTCAAAGTTAGCTATGCCAGTAGGTGGGATGGGATGCCCATAGTTCAAATTAATGGACTTGTTTAGTTTTT  
TATTGTCGATCTGCTTCGCAAGCGTGACGACCTAATATATAAACTTTGTATTCTTCAAAGTCTAACTTTGTAT  
TCTTCAAAGTCGCCGAGAAATAAATTTATTTATACGACTAANAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_718 GU828008|Gossypium hirsutum high-affinity potassium transporter protein 2  
(HAK2) mRNA, partial cds

TACCGGAGATCAATTGGACGTTGATGCTCTTATGCTTGGCTATTACCATTGGCTTTCGAGACACAAAACGCATG  
GGCAATGCATCAGGCTTAGCAGTGATAACTGTTATGCTGGTGACTACCTGCTTAATGTCTGTAGTCATCATCTT  
GTGCTGGCATAAAAGCTCTGTCTATGCCATTGCCTTCATACTCATTTTCGGGTCCATCGAATCACTCTACTTTTC



AGCATCTCTCATCAAGTTTCGAGAAGGGGCTGGGTTCCGATCGCCCTCTCACTCATCTTCCTAATAGTCATGT  
ATGTATGGCATTACGGAACATGCAAAAAATACGAGTTTGATGTTCAAAACAAAGTGTCATCAACTGGCTCCT  
AGGCCTAGGTCCCAGTTTAGGCATTGTGAGAGTACGTGGGATTGGCCTCATATACACCGAACTCGTCGCAGG  
AATCCCCGCTATCTTCTCCCACTTCGTAACAAACCTCCCCGCCTTCCACCAAGTCCTGGTCTTCCTCTGCATCAAA  
TCCGTCCCAGTCCCACACGTGAGACCTGGAGAAAGGTTCTAGTAGGCAGAGTTGGGCCAAAAGAGTACCGT  
CTCTACCGATGCATAGCACGATACGGCTACCGTGACATCCACAAGGACGACTTGGAGTTTGAGAAGGACTTG  
GTATGCAGCATTGCAGAGTTCATCCGTTCCGAGAAATCAGAAACCAAGTGTAAGCTAGAAGATGCAGAAGAA  
AGTGAGAGAATGACAGTAGTAGGGACATCTTCAACAAATGTAGATGGAGTGAGAATGTGTGAAGATGAAGG  
AGAAACAGCAGAAACATCAGAGGTAAGAGAGATAAAATCACCAAAAAAACTGAGGAAAAGAGTGAGATTTT  
TTGTACCAGAGAGCCCACAAATGGAATGGAAGCAAGAAGAGAGCTTCAAGAGCTAATGGAAGCTAGAGAA  
GCAGGAATGGCTTTCATAATGGGACATTCATATGTGAAAGCAAAGAGGGGATCAGGTTGGGTGAAGACAGC  
GGTGATAAATTATGGGTATGATTTTTGAGAAGAACTCAAGAGGGCCAAGTTATGCTTGGAGTGTGCCTCAT  
GCATCTACTTTAGAGGTGGGAATGGTCTACCAAGTTTGAATTTGTTTTACTTTAACTTTGTGCATTCTCTGGT  
CTCTCATTGTATATAATAAAAGCATTTTTGTCCAAGCTTTCATCTTCTTTAGGTTACTTTGGATCTCACTTCT  
TGTAATTCTATAACTAAAGCTTAAACTTGCCCCCAAATAAATGGAATAAATGGGCACCTTTTTTCTTTT

>trans\_c\_719 XM\_002873778|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WD-40 repeat family protein,  
mRNA

TAAGTACATTGGGATCTGACATATCTGGTGGATCAGTTTATATTCTTAATCTCATTGAACCATTGGATTTTAATC  
GAACTATTCTGTCTATTAGACGAAGGACATGAGGTTGCTTCTTTTAATTGTTCCATCTGGACGGCTGATTGTCA  
ATCTAGTGGAGGCAGAGCTGTGATTGGGACAAACATGGGAGCTGCTTCAGTTGATATGGGAACTGGCAGGAT  
ATCATGGATCTTACATGGTAAAAGTGACATTTTTGCGCTACAACCTCATTCAATTCGGAATGTTGTTCTGTGTG  
GACTTAGAAATGGCATGATTGTGACAATTGATACTCGTGAAAGACAGGAAGTAGCTAAGAGACCTTTAAGGC  
ATCGAATTCCTTACTTACCCATTGATAGAAGAACTCCAGAACGTCCTCTCAGCAATGGTATAAGCTCACTGGT  
AACATTTTTCTTCATGTACGGTTAAATGCCCTCATCTATATCAAGCTTGGTGTCATTTCAGTTTGATGACCGA  
TACTTTTTGGCAAGCTCCATGGATGGATCGGTTAACTCTATGATCATCGCCTTATCCAGAGAGGTGCTGTACA  
AATTACGATGGACATGCAATTCACATACTCATGTACAGCTTGGAGTTGATCCCACCGAGACGTTTGTACAT  
CTGGTGGAGAAGACTGCAAATTCGTCTATGGAATATCAAGCTGGGAAACTGATCTTTGAGGATAAGTTTGG  
TGATGCTGTTCCCTCAACCATATGCTGGCGAAGGGCTGGAAGATTTCAGGAGGGCAGAATGGATACCTGGG  
CTGCGAAGCTAATTGTTTCGGGAGCATGGCTTGGGTGACAATGCGGAATTCATTATGTGAACTGGCCGAGGAC  
ATAAGTGAACAAGAAGCTGACGAGGATATCTGGCCAGCTTCCCAATTTGTCATACTCTAACCTTCAAAGAAG  
TTCTGCTTTTACTTAGATAGTTATGATTCAGTTATGAATCAGGAAGTTCATCCGGCAGGCTTTAAAAAAATA  
TTATTTATATATAAATCATATTGTTAGGTCATCAGCGATTATTTTAAATTATTTTTTGTCTTGTATTTGTAGTAT  
TCAATGCACCACACATTTGTTGATGTAAAATAGTACTCCTAGATTCAAGAATCCCTATTCAAGTCGGTCAGGTAG  
AATTCGTATTTGTATATTAATTTATTTTATGTTTAGCTTGTTCCGTTAAGATGATGCTTCTTTTCTGGTTCACC  
GTTCTTAATTGGATTATAATTCTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_720 U56141|Arabidopsis thaliana EMB30 gene, complete cds

TGGATCTGTTGATTGTTTAGGACGGTGGGCTAAGGAGGGTTAGGAAGCTGCAAGGGAGGAGGAAGCCATTA  
AAATGTCACAAGATATTGGAGACATGTGGCTGAGGCTTGTCGAAGGGTTGAGAAAAATTTGCTTGGACCAAA  
GGGAGGAGGTTAGAAACCAGGCTCTATTGTCATTGCAAAAGTGCTTGACAGGTGTTGATGAAATCAGCCTTCC  
ACATGATTTGTGGTTACAGTGTTTTGATCTCGTGATCTTCACAATGCTTGATGATTTATTAGAAATTGCACAAG  
GACACTCTCAGAAAGATTACAGAAACATGGAAGGCACGCTGATCCTTGCCATGAAACTCTTGCCAAAGTGTT  
CTTACTGTTGCTCCAGGATCTTCTCAATTAACAACCTTCTGCAAGCTATGGCTTGGTGTCTTAGTCGAATGGA

AAAGTATGCAAAAGCTAAAGTTAGAGGAAAAAGAAGCGAGAAGCTTCAGGAGTTGGTGCCTGAACTCCTCAA  
GAATAACTTGCTTGTTATGAAAACCAAGGGGGTGCTAGTTCAAAGGAGTGCGCTAGGTGGAGATAGCCTGTG  
GGAACCTCACATGGTTGCATGTAAATAACATTTCTCCCTCGTTGCAATCGGAAGTCTTCCCCGATCAAGATTCCA  
ACCACGTACTTGGTCAGGGTGAAAAAGGTGGCCTAATTCTAGTGAAGCAAACCTCTGTTTCTTCAACTGAAAA  
GGTAGCATCCGACAATGCTGGAACCTGGAGGGTAGGGTTTATTCAAACAGAAATCTCAGCTTCTTTCGCCAAGT  
GATGTCGCTATGCATATACTTGACCATCAGGATTAATAATTTTTGTCTAGAATTAGTCTGTATCCATCCAGATAAT  
CTTAAATTTACAGAATGAGATGGGGCACATCATTTCTATACTTGGAGCTTGCTTTGTTACAAATAGAGGGGAGG  
TTATGAAGTAAATTTGTGTCCCGGAACCGCCCCAGGTATGCTTTATGAACTTCAGGCTTTCATCTCTTTCGGA  
CAGGTGTTTCTTCTTCTATATTCTACAATCTTGATCACAGAGTTCAGAGTTTGGATTTGTCTATTCTAAACC  
ATGATGTTTGTAGTGTGTTATACGTATCATCGTATGATCAGGCATAGATTTCATCTTCTATCTTTCTCTTTC  
GTTAACATTCCGAATTCTGGAAGCATACTATCATTCATCTCGAATGAAGCATGTACTTACTATTATTTTGTATT  
ATCTTTGCTGAGTAATGTACAGAATCAAAAAGTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_721 XM\_002865015|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aldose 1-epimerase family protein,  
mRNA

ATATAGATAACAATGTCGATATCTTGCATGAAAATTGCCCTCCCCACCCAATATTCTCCATGCGTTCGTCCAGCA  
AATCGTCAAAGATACAGGGGTGTTGCTGTTGCAAGTCTGAGAGGAGATTTTGCTACTTTGGGGGTGAGTGTT  
ACTGAAGGCGAAGGAAATTTACCCAAGGTTGTGCTCACTTCTCCGAGTGGCAGTGAGGCTGATGTATATTTGT  
ATGGAGGATGCATTACATCTTGGAGACTCGCTAATGGGAAGGATCTCCTGTTTGTTGCCCCGGATGCTGTTTT  
AACAAGAAGAAACCAATCAGTGGAGGCATTCCACATTGTTTCCCACAATTTGGACCTGGCCCTATTCAACAGC  
ATGGATTTGCAAGAAACGTGGATTGGTCCGTCTTTGATTCAGAAAAGTGTGAAGGCAACCCAGGTGTAACCTCT  
TGAAGTAAAGGATGATTCTTATAGTCGTTCCATGTGGGATTTCAAGTTTTCATGCTCTGTACAAGATTATTTGA  
GTGAAAGGAGCCTTTCCACTGAGCTAATAATTAAGAATACTGACAAGAAGCCATTTTCATTACTACGGCATTG  
CATACATACTTTTCTGCTTCTATAAGTGGAGTAAAAGTTAGGGGATTGAAAGGTTGTAACATTGAACAAAG  
ATCCAGATCCCACCAATCCATTGGAGGGGTGTGGAAGAAAGCGACGTGGTCAGCTTTCCTGGATTTGTTGATTG  
TGTTTATCTTGATGCACCTGGAGAATTGAATCTGGATAATGGATTGGGTGACAACATACTTATCAGCAATACA  
AATTGGTCCGATGCAGTGTTATGGAACCCACATTTGCAGATGGAAGCATGCTATAAGGATTTGTTTGTGTTG  
AGAATGCTAAGATAAGGAAGGTCCAGTTAGAGCCTGATCAATCTTGACAGCGACGCAGGAACCTAGAAATTG  
CATGAAACATGAACAAAGGCTAACCTGATATTTGAATCCCTTCATTATCACCTATTTTGTGTTGATTCTCAAGTT  
TTTGAAAGCCTTGAATAATGGGATCCTTTTGTAGGATTCTGTGCTTCTCAAATTACATTGGCAACACTACATC  
CAAGTGAACAGTGTAACCTATATGATACTATAAGGTGCTTTTGTGAAAGCCTTTTCTGATGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAACTTTATCAAACCCCCCAACCCCA

>trans\_c\_722 NM\_120911|Arabidopsis thaliana HEMC (HYDROXYMETHYLBILANE SYNTHASE);  
hydroxymethylbilane synthase (HEMC) mRNA, complete cds

CTTCTTCTTCTTCTTCTCATCTCTCTCAATCTCAAATAAACACTCGCTCAAATGGGTGTTTTATCTTCCCCTTCTGT  
AAACCACTCTCCAATGCCTCGCCCTTGTAATGTTGGTTCCTTTCTTCTTGGGTTCTTCACTTTCCCTTAA  
CCTCCGGCTTTCTTAATGGCGCCAAGAAGTTTCATGGGGATGGTCTCATAAGAGCTTCTGTTGCTGTGGAGC  
AGCACGTAGAGAAGACCAAAGTTGCTCTGTCAAAATTGGCACCACAGGAAGCCATTAGATCTTGCCAGGC  
TCATGAGACCAGAGACAACTCATGGCTTCCCATCCCCAGCTGGCCGAAAATGGGGCCATTCAAATTGTTGTA  
ATCAAAACAACCTGGTGACAAAATACTATCTCAGCCACTTGACAGATATTGGTGGGAAAGGCTTATTTACTAAAG  
AGATCGATGATGCACTTATAAATGGTGACATACACATTGCTGTTCACTCAATGAAAGATGTACCAACTTACTTA  
CCCGAAAAAACCATCCTCCCATGTAATCTCCGAGGGAGGATGTCCGCGACGCATTCTTCTGAGTGCAA

GTTCACTTGCTGAGCTTCCAGCTGGAAGCATGATAGGTACAGCTTCACTGAGAAGAAAGTCTCAGCTACTGAA  
TAGATATCCATCCCTCAAAGTGCTGGAGAATTTTCGGGGCAATGTCCAAACAAGGTTGAGAAAAGTGAATGAA  
GGAGTGGTCCAAGCAACACTGTTGGCTCTAGCTGGACTTCGGCGTTTAAATATGACAGAAAATGTTACTTCGA  
TCCTTTCAATCGATGAAATGCTTCCAGCTGTTGCTCAGGGAGCTATTGGGATTGCCTGTGCAAGTGACGATGA  
CATAATGGCCAATTACTTAGCCTCATTAACCATGAGGAACTAGACTGGCTGTTGTTTGTGAGAGAGCTTTTC  
TTGAGACTCTTGATGGATCTTGCCGAAGTCCAATAGCAGGATATGCTTCCAGAGATGAAGATGGCAATTGTAT  
ATTTAAAGGGTTGGTGGCTTCCCCAGATGGAAGTTCGAGTTCTTCAAAGTCTCGACGAGGTCCATACGCCATT  
GATGATATGATTGCGATGGGAAGGATGCTGGCCAGGAGCTTCTTCTCGAGCAGGTCCCGTTTTTTTGATA  
GCTAGTTAGTTTAAACATAGGATTTTAGGATAAGGGCAGAGAGAGAAGAATCAGGCTTCATATCCAAATCTTTC  
ATTGAGTAGGAGTTTTATTCATCGTTTGTGATGAAAGTTGGTGTATTTTAAATATGATTTTTCCCC

>trans\_c\_723 AF446361|Arabidopsis thaliana At1g12650/T12C24\_1 mRNA, complete cds

AGGTTTGCTTTTGCCGCCCCGATTTGCCTTTGCCACCTCACTCGTCTTTTCTTCTCCTCAACGTCCTCATCTCC  
GGCCACCGTCGACTCCTCCTCAGTGTCTCATTGGTCGCCAGTCGAGTTACTCCATCATACAGTCACCGTTCGT  
CACTGTTTCGGAGCCGCATCGCCTTTAGCCTTGCTCTTTTCTGACCATTACACCTCCAATCTTAGATTAGGGGCC  
AAATTGAAGTGGGGAAAGCGTATAATCCCAGGGGATTGAGTCATTAATAATCCAATATTATCAATCTTCGGAT  
TGGAATGAAGAAATACAGTAGTTCTGTTCCAGCTCTGGCAAACAAATCATGGAGGAAGAAAGTGAAGATCT  
TGAATCTTCTCCTCAGATGAATCTCTTGACTCGGAAGAGGAGAATATAGAGCGTGAAGTGCAGATGTAAGT  
TTTGAAGAGTTACAAAGAGCACGGTCTGATGGATCACATTCCATGTACCAAAGACCAAACAAGAGAAGAAA  
GGTGGGCGGGCGAACAAGAACAGGCCAATGGAGGTTAGCAGCAGGAAACCAGTTAGTAGGTTTAGGGAGG  
TCATTACGGCTCCAAACATATGGTACGTGATCCACGTTTTGAATCTTTATCTGGTACTCTTGATGTTGATGGAT  
TTAAGAAGAGATATAGTTTCATATACGAGAAAAATCTTCCCGCTGAAAAAGAGGAACTGAAAAAGCAGTTAA  
GGAAACAAATGATCCAAATGTTGCTGAAGAACTAAAAAGCAATTATCTTGATTGACAAGCAATTCAAATC  
CGATTCCACAAAACGTGTTGATGCTGCAATTCTGGCCAAACATAAGAAGAAAGAGAGAGAAGCAGCCAAACA  
TGGGAAGAAGCCCCTCTATCTTAAGAAATCTGAAATTCGAAAGCAAAGGCTTGTCGAAAAATACACCAATCTT  
AAGTCCACTGGGAAGCTTGATGCTTATGTGGAAGAAAGAGGAGGAAAAATGCTGCAAAAGATCGTAGATA  
CATACCATATCAAAGGTCTAGTAAGCTTGATGAGCAAGATTGAAGGTTAAACAGGTATTTTCATGCTTGCTTT  
AAGGAGATTCATGTTCCATATTTTTTTTTTAAATTTAGCCTCACCAAGATTTTACTTGTCATTTCTTGGGTTATT  
GCAGAAGCAGGATAGAGATAAGTTTTAATTTGTTATAACGTCATGTATTGCTTGATATGTAAATCTGATGCTAG  
ATTCCCAAAATTTGAAAGAACTTCTTGCTTCTTTTAGTTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_724 XM\_003083159|Ostreococcus tauri Peptide exporter, ABC superfamily (ISS)  
(Ot15g00640) mRNA, complete cds

TCTCAAACAAATCTGGTCTGTCCAATCAAATGTGGAGAGGTAAAGCCAATGAGTTTTCTTTTGATAGTGGTG  
ATAGCAGTAAAATTACAATGATGTTCCACCACCTGGCTGATTATGTTTTGTCTGCTTAAGTAGCCACTAAAGTT  
AGTGTTTGATTCATTTCCAAGTGGAAGGGGGATTTCATGTTCTACTAACACTGTGCTAAGTATTCATTCGTTA  
ATCGCATTGTTGAAATGTTATTTAGTTTCATTGGAAGCTACTTGAGATCCCACAATCATGGTTCAAGGTAGGGA  
CACAAATACTTATAAACAGAAGATTTGTCCTTTAATGGCTAACTGCTTTTTACTGTTAGGCTTTGATTTGTCTGT  
GACCACAGAACTATGGAAAGAGAATCACTTCAATTACAAATTTACTTTTAAGATTCTGATGAAAAGCTCATTT  
CTATTCTGTTTTAATATGAGTTGTGGATAACTATGTTTTTATCCTTAGAATATTCTCAAACCAATACATTTACAT  
TATAGCTTTGGCTTTGGTTCCTTGCCCATCTTTGTGTATGTACCTTCACATGACATTTTTTAAATCTTTTGA  
ATCCTTCTTTTGCCTAACTCACTTTGGCTTACCAATTCGAAGACTCCACATGGCAATAATTTTGGAAAG  
CATGTTAAATTCATGCATTTGTGGTATGTGTACATTGAACTCATGCACTTTAGATAAGTTTGTAAATTATACGT  
GTGAATCGAATGTTTAGGTCTTTTCGTGAAGCAAAACTTGAAATATAGATAAACCATCATTCAAATATGTGG

CTATGTTGATTTGATATTCATATCCTTAGGTTATATTCTATATCTGTTCTTTATTCTTATGGTTCTTTCAGTAT  
ATGCTAAAGACATGCTATTTTTCAAATCATTGGTCAAGTAGTGAATCCAATTAGTGTAGAAAAGTGCTTCTAAA  
ATTTCACTATTTGCAAGAACATTCTTTGCTGTTGTTTGAATATTGTTATGTTGAGTGGAGTTCGTTTTTTA  
ATTCTTTAGTGAAAGAATAATCTTTCACCTCGGAACTAGCTTTTAGTTTCTTATCCATTTTCTATTGTCTTGG  
TATATAATATGCATCTTTCATTCAATTAATTTCTTTGTTGGGTTAGGCAGCTAGGTATTATGTTATGCTGGAT  
TAATCAAACCTTTGCATATATAGATCCATATTCCTTTGGATGAGTATCTTCTTTTATACAGTGCCCTTTGGCCTAA  
TAATTTAACTATACAACATGGTTTACCGAAGACAATTTTAC

>trans\_c\_725 Z46646|C.plantagineum tkt3 gene for transketolase

AGAATGGAATGCCAAATTTGCTGAATATGAGAAGAAGTACCCGGAGGAAGCGGCTGAGTTGAAGTCAATCAT  
CACTGGTGAACGACCAGCGGGCTGGGAAGATGCACTTCCGAAATATACACCTGAGAGTCCAGGTGATGCAAC  
TAGAAATCTGTCTCAGCAATGTCTTAATGCTCTCGCAAAGTTCTTCTGGTTTTCTTGGTGGCAGTGCTGACTT  
GGCATCATCCAACATGACCTTCTGAAAATGTATGGCGATTTCCAAAAGAACACTCACTCCGAACGCAATCTTA  
GGTTTGGTGTAGGGAACATGGAATGGGTGCCATATGCAATGGGATTGCCCTTCACAGCCCTGGGTTTATCCC  
ATACTGTGCCACATTCTTTGTTTTACCGACTACATGAGAGCTGCTATGAGGATTTCTGCCTTATCTGAAGCTG  
GTGTCATCTACGTCATGACTCACGATTGCTTGGGCTTGGAGAAGATGGTCCAACCCATCAGCCAATAGAGCA  
TCTGGCAAGCTTTAGGGCAATGCCAACATATTGATGTTTAGGCCTGCTGATGGTAACGAGACTGCTGGTGCT  
TACAAAGTTGCAGTTGTAAACAGGAAGAGACCTTCTATTATGGCCCTTTTCGCGGCAAAGTTGCCTCATTTACC  
TGGAACCTCAATTGAAGGAGTCGAGAAGGGTGGATACATTATTTCCGACAACCTTTCAGGCAACAAGCCAGAT  
GTTATCTTGATTGGAACCTGGTCTGAATTGGAGATTGCTTCCAAGCAGGAGAGGAACCTCAGAAAGGAAGGA  
AAAGCTGTTAGAGTTGTTTCTTTGTCTCTTGGGAGCTTTTTGAAGAACAGTCAGATGCCTACAAGGAAAGTG  
TTTTGCCAGAAGCTGTATCAGCTAGAGTCAGCATTGAGGCCGTTCAACATTTGGGTGGGGAAAGATTGTTG  
GAAGCAAAGGGAAGGCAATTGGTATTGATCGATTGGCGCGAGTGACACAGCAGGAAAAATATACAAGGAG  
TTCGGTATCAGTAGAGGCTGTCGTAGCAGCAGCTCGAGAACTTAGCTAGGATCATTTATATCAGTATCTTCC  
ATATATGGAAATCAGCGGCCCATGACATGAATTTCTTTATTGTAATAAACGAATGAAAGCGTGATCCTTCTTGT  
TAAAAAAAAAAAAACAAAACAAAAAACGTGAAGCACATTCTCTGTTACTTATGATTCTGTTTACAGTAAATGAGG  
TCACAATGAGAAACAGAGAGACGCATTAGTATTTTTGAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_726 NM\_001187054|Oryza sativa Japonica Group Os04g0476400 (Os04g0476400)  
mRNA, partial cds

ATTCTCTCTCTCTGGCGCGCGCGGTTTTCCCGGTTCTCGGTTTCGTTTGGTTCCCGCCGTCGACGTCCACAT  
TTCCGTTATCCGGCGAGTTGTTCACTGCATCTCTTTGTGGCCGCCGGGTTGTTCCATGGCTTGGTACGAAGGCG  
TTGAGGAAACACGTATCCTCATTGCTCCTGATCATGGGGTCAAAGAAATTGGTACTGATGCTTTCTTCACTTC  
GCCATCCGAAATCAGGAAACCCAACATGTTTCTTATATGTAAATGAGATGTTAGAGGAAATTCAGTGGTTCAA  
GCAGTCATATTCATCGTGGTTTTTGGGAGACTATGTTACTGAAGATGGCCGTCTGTATTCTGCCACCCCACTAG  
ATCCTGTATTCATTTTCTGCCCATTTTGGAGGAAGCTAGAATGAAGAAGGGGGATGATCCTGGGAAATTCAG  
GCAGTTAGATGACATAATGTTCAATGGGTATCCTGGATATCTGCATTTACTGTCCCTTGCAGAGACGTCTA  
TGCAAGTAGTTTGTGAGGTCAAAGAAGTCGGATCATCTAGGTTTTTGGGCTCGATGATTCAAAGGTATTGGC  
ATGGTTATATCACAAGGTATGCCAACTAAAAAACTCTATGCACACTGGATAAAAACTATGCTGCAAGGGAA  
GAAAAAGAAACATTAAGCGACGCCGTTTCGATTTTGGGGAATACTGAAGGATCAACCTTGGTTGAAGCTTT  
TATGTGACCATCTCAAGTTAAATTTTGTGAAGCAACCAGAAAAGCATCGGATTCGAAAAGGCTCCTACTAG  
CATAGAGAACAAATTTGATTCTATCTCACAGGATAAGAGTTGGAGTGACGCAAAGAATACAAGAAATGGAAA  
GCAAGCAAAGAAGCCTAAGGTGGAGACAGAATCACGGAACATCAAGGACATGTTTTCAAAGGCTGCAAAAA

GAAAAAGATGAAGCATTTTCAGATATGTGATGATTTAAAAGCCAACAAATTAGGTCCTTGCATACTCTCTCATTT  
GTGCCACAGCAAGTCAATTTGGTAAAAGCATTAACTTACGCCTACACATGCAATGTCTCTCCCTTTTACTTTCTT  
ATCAATAGAAAGAAAAGTGATTCTCACTTTACGTATAGGTAAATGAGGCAATCCATGGATGGAATGGTATATT  
TATCGAACTTACTAAAGGAAAAAAGCTTTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_727 DQ822891|Glycine max MYB transcription factor MYB69 (MYB69) mRNA, complete  
cds

AATCGATTCTTTTTCTGCATGTAAAATCCTATAAATACAAACCCACAAGTTTTTCAATCCTTCCCAACAAAACCC  
ATTTCCCAATTCTTCATAAAAACTCTTCTAAATCCCTCCCATCAATCAAATCAAATCAAATCAATCCCTCTCTC  
TCTGTTTTCTTCTTATGTTTCACGACAGTCGGTGGACGACCATGACTCAGTCTTCGACTCACTGGACTCGGTC  
CGAGGACAAGCTTTTCGAGGAGGCTTTGGTGGTTGTTCCGGCCAACTTACCTGATCGCTGGCAAAGGGTCGC  
CGACCATGTCCCTGGTAAGTCGCCGAGGGAGGTTAAAGATCACTACGAGGCTTTGGTTCACGATGTCCTTGAA  
ATTGACTCTGGTCGAGTTGAGTTGCCAGTTATGCCGATGAATCGGCGGTGGGTTTGCCGGAATGGGACTCTT  
CTGGACAGATCTCTTTGGATCCAAGGCTAAGCATGGTGGAGATAACGAGAGGAAGAAAGGAACGCCATGG  
ACTGAAGAAGAACATAGGCTATTTCTCCTTGGACTGAAAAATTCGGTAAGGGAGATTGGAGGAGCATCTCA  
AGGAATGTAGTGATCACAAGAACCCACACAAGTAGCAAGTCATGCTCAGAAATACTTTCTCCGACAAAACCT  
CCGGTAAGAAAGAGAGAGGAAACGATCAAGCATTACGACATCACAACAGTCGACAACAACCTCCATCCCCATGC  
CTATTGACCCCAATTGGATATCTCCAGCCCCCAACAATCCAACCATTCAATCAACTATGCAACAGTTAAGTCCA  
ACAAGTCACGGGCAAGACCAAGGAGCTTCACTTGGGTTCCAAACTACCGGTTCCCAATGTAGCAATCAACTA  
GATAACCTTAGAAAACTACCACCATTACTACAATGTAAATACACCAAAAATATCTGTAAAGACCAACCTACAT  
ACGTGCCCCGGGGTTTGGTTTCGTCGTTCTTTGGTTGCCACAGTTTAGAGAGAACCTGCCTGTAAGTAAAT  
AGAGAAGAAAGGAGAAAGTATTAGAAGTTAGTAGTAGTGAATGATTGTTAGAAACAGCAGTTAAAAGCTAAT  
GTAAAGAATTAGGGAAAAACACAGAATATGAATGGCAAAACAAAATTCTTTGTTGGATTGTGACAAGTCCT  
GCAAGCAGATTTTTGTGGCAGGAAGTTTCACTTTCATTGTTAGATTACTGTTTGTGGGCTGAAGATTTAAGA  
CTGATTACTCTTCTTTATGGAATTGGGCTTTGACTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_728 XM\_002870857|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein phosphatase type 2C,  
mRNA

CGGGAGTCACCTACGCTTGCAACCTCCAAATGCTCTCCCTGATGATCAAAATGGTCAAGTGATTGGATAAAAA  
TTGGAAAGTATAGGATGTTATTTTCAAGGAAATTCACCTGTTTGATAATGGTCACGGCTGTTGTTCCACTACAG  
AAACAATCAATAGATGAATCCAAGCTGAGTTCTTGATCAACTTCTTTGAAAGATTCTTCAAGAGCAGTTCCCA  
TTTCGAAACCAACCGGTTTCGTTGTTTTCCACCATTGTTATCTGGTTCAACACAAGCTTCAGAAACCACCCCAT  
TTCAGGTTTCATATAGCTGCTTCTTGATAGTTGTGGAGAGCTTCGTGGGTAGAATGTCTCGTGCATGGCGAGCA  
ACCCAATGACCAGATGGGCCATGACCATCAAAAACTCCACAAAACATCAAATCTTTCTCCCTGAGAAATCCTG  
TAAGTTTTGATTCAACCTTCTTTGAATACATAGATAGACACAAATCATATCCCTTAAAAAGATCATATCATAAT  
GCATCCTTTTGAGATCATCATCCATAATAATCAAATTAAGGGAAACAAACGAAATAGTATAGAGTTTATTCC  
TTTGTTTTACCTCCCAAACTGTCATTGCATCTTGATTGATTCTTTTCTTCTCGTTGAGTAAACATCTATGTGA  
ACGCAGAGGATCCACGAAACCGAACGGTGGCACCATCTTACCACGTCAAACCTCTTCTCCATCATCACCATTG  
GAATCCCTATCATCTTTATCATAGGTCGTGTAGCCTCCATACAGGTTATCTTTGTACAACAAGCCCCATTCT  
GAGACGACCCTCCAACTAGGGCAATCTCAAAAAGGAATTTGACCCAACAGAAGAGATGAAATACCAACAAAA  
TTTCTGAGAAAGAAAATGCATTAAAGTGAAGATGGATCGAGGATTTCTCTGATTCTGAACCCAAAGGAAGCA  
GAAACAGAGAAGAGGAGGAGAGGAGAGATAGTTGAATTATAATTCACAAATGGAGAGGGAGATAATGGATT  
GAAGGAATGTTGTTTGGATGAGAATGTGGAATTTCAACGAACAAAATTATATTTAGAAAATCAAGGGTGGTG

TCTTACCACCATGGGTCTCTTGTTGACATTTGTGTTTAGTGGGTTTGTCTTATTTCAATTTCTTCAACCTATTACG  
TGGTTTATTATTATCATTTTTTTAATTTAATTGTAAATTTAATCAGAAAAAGTTAGAATTTGGACTCTTTACTTTA  
TAGATTAATAATTGATCGATTCTTATAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_729 AY054632|Arabidopsis thaliana Similar to CGI-126 protein (At1g27530; T17H3.3)  
mRNA, complete cds

AATCAATCGACGGCCACATCTCACGAGACATAAACAGGGGGAGTTGGAGGAATCGACGGAGATCGGAATCT  
GGTTTAGGGTTTTAGCAAAAGAAGAACAATGGAGGGTTGGGATCCGAATACCAAGTCGACGCTTACCCAAAT  
CCCTCTATTAACGACGAAAGCCGGGCCAGAGATGGCGCCGCATGGACGCAGAGGCTGAAGGAGGAGTACA  
AGGCATTGATAGCCTACACCCAGATGAACAAATCAATGACAACGACTGGTTTAGGATCTCAGCTGCAAAATCC  
AGAAGGAACACGATGGATCGGAAAGTGCTGGTACATTCAACCTTCTCAAGTACGAATTCGATCTTCAATTC  
GATATCCCCGTCACGTATCCCTCCACAGCGCCGGAGCTTGAGCTGCCGGAGCTCGATGGAAAAACCCAGAAG  
ATGTATAGAGGTGGTAAGATCTGCTTAACCATTCATTTCAAGCCGTTATGGGCGAAAAATTGCCCTAGGTTTG  
GAATTGCTCACGCTCTTTGTCTGGGACTTGCACCATGGCTTGCTGCTGAGGTTCCAATTCTTGTTGATTCTGGT  
ATGATCAAGCACAAAGACGACACGACATCAACCAAGTGAATCTTAGAAAGTATATGAACTTCTCTGCCATAAAA  
CTGAAACTTTTGACCTCGTACATTTCCGGGTAAATTGGAAAAATAAACTTATCAAGCCCCAAAAGTTGTAATTTA  
GAGGTTCTTCTCGACCCCCGACCCATAATTTAACTGTTGAGGTTACAACCCTTCAGTTACTTATATACATAGTT  
ATATATTTACTGGGATTCAGTCATATATGTTGATACATCAGCTAATCACCTTTTGTTTACCATTATTCTCAATTGG  
ATTGTCTCTGATGAAAATGTGGAGTGCAGATTGTTCTTGGAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGG  
CCCCCCCCCCCCCAAAATTTTACAAACCCCCCACCCTGGGGGGGGCCCGGGCCCAATCCCCCAAAA  
GGGGGCCAAATACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACCCCCGGGAGGGGAAAACCCGGGGGTTCCCCA  
ATTTAAACCCCTTGAACAAATCCCCCTTTCCCGGTGGGGAAAAACAAGCCCCCCCCATCCCCCTT  
CCCAAAATTTCCCAACCCAAAAGGGAAAAGGGACCCCCCTTGAACGCCCAATAAACCGGGGGGGGGGGG  
GG

>trans\_c\_730 AB433810|Lotus japonicus LjCPR1 mRNA for cytochrome P450 reductase, complete  
cds

CAGCAGAAGCTGATCGACTAAGGCATCTTTCATCACCGGCTGGAAAGGATGAGTATTCTCAATGGATAGTTGC  
GAGTCAGAGAAGTCTCCTTGAAGTTATGGTTGAATTTCCATCTGCGAGGCCTCCACTCGGTGTCTTTTTGCGG  
CAGTTGCCCCACGCTTGCAGCCTAGATATTACTCTATATCGTCTTCTCCAAGGATGGCCCCATCTAGAATTCATG  
TAACTTGTGCATTGGTCTACGACAAAACACCAACTGGACGAATTCACAAAGGTGTATGCTCAACTTGGATGAA  
GAATGCTATTTCACTGGAGGAGAGCCAAGCATGCAGTTGGGCACCCATTTATGTTAGGCAATCGAACTTCAAG  
CTTCCCACAGATTCTAAATTGCCATTATCATGATTGGTCTGGAACGGGGTGGCTCCTTTCAGGGGGTCTT  
GCAGGAAAGGTTAGCTCTGAAAGAATCTGGTGTGGAATTAGGACACTCCATATTGTTCTTGGGTGCAGGAAC  
AGGAAAATGGATTACATCTACGAGGATGAGCTGAACAACTTTGTGAAACTGGTGCACCTTCTGAGCTGATTG  
TTGATTCTCACGTGAGGGGCCCTCTAAGGAATATGTGCAGCATAAAATGGTTGAAAAGGCGTCGGATATTTG  
GAATCTATTATCTCAAGGGGCTTACATTTATGTTTGTGGTGATGCTAAGGGCATGGCCAGAGATGTCCACCGA  
ACTCTTCATAACATTGTGCAAGAACAGGGATCGCTTGACAGCTCCAAGGCTGAAAGTATGGTTAAAAATCTTC  
AAATGAGTGGCAGGTATCTCCGTGATGTGTGGTAAAACTTCCATTCTAAGCTTTTGGAGGAATGAGGAAA  
ATATGGAAAAGACAAAGTATTATTATTATTATCATATCTCCGTCAAGTGAATGAATCTTAGAACAAA  
AAAGGGAGGGCGCTCTTCCAGTGCTTATCGAAAGGAGCAAATTAAGGTCAGCTTAACTCTGCTCATTATTA  
TGGCAGATAGATCTGTGAATCTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTCTTCTTCTTTTTTTTTTCCATCTCCTCTC  
TCCTTATACAAAAGGATTCTTTGTTGAATTTATAGACCTAATAAGTATGATGAGTAGGACTAGTTCATGAAC

CTTGATTTTCCCTGTAAGAGCCAACAAAGATGGTTCAAGTATCCACTCAAGACTCTTGTAAATTCTCAGCTTATTA  
TATATATACGCACAATATATTAGGGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_731 Novel Gene

AAGGAAGAAAATAAGGCCTTGGGGAGTTCATTGTGAATCCATTATTAGGTTAATTTGCACTTTGATATTATCAA  
TTTTTGCTCTTGATCTAACAACGTTAATAATTGATTATATTTAATTAACTTTTGCATGCAGGACCTATAATTAGA  
AATGCACAGTATATTTTCTTGAAGTATTTTAAATATACCTTTTTTGATCTTATTTATGTGATTTTGAAATCAGTG  
ATCTTTTATTATCACATTATTTTAAAGATCTATTTGTGAAATCTAATATCTATAATTTTCTTTTAATTCATTAT  
GTTAAAATTGTTTCTGTGGTTATGGATCTAAATAATAATATTTTGTAGATGTACATTTTGCATCTAAATTTAAA  
GAAATGTTGTTAACGTGGGTTTGACGAACACCTGTGTGGAGACTGCAATAACAAGAAAAATTACTCTGATTAA  
TCAGCAAGTTTAGCCTTGTGATTTAAAAATGTTTATTAATAGAATTGTGTTTGCTTCAATTCGTTTTCTTGACCT  
ACATTTGGGACAAAAAGTTGGTTACTAAGTAAATTATTATGGGTTCTTTGGCTTAAGGGTTATCACTATTGGGT  
TGGGTTATGTTAACATAATCTTTGTTGCGGGAAGGGTTATCATAATCTTTGTTTTAGGGTTATCATAACTCATCT  
TTCTCTCTCTCTCTTTTGAATTTTTTCAATTTCTCGTAAATTTATCTTCAACTTCTCTATAAACTATATTT  
TTAAACTCTTTTTTCAAACATATTTTATCACAAAACACTACATTTTAACTACTCTTCGAAACACATGCATGTTTAT  
CATAACATTAGTTTTATTATAATAAATATTAGTTTTACGATAACACTAATTTTATTATAACATTAACCATTTATCT  
CTTCAACCTCTCTGTAAAACATCTTTATAAACTCTTTTTTCAGACATATTTTACCGCAAAATTACATTATTAAC  
TATTCTTCAAACACATGTTTATCATAACATTAGTTTTATTATAATAAACATTAGTTTTATGATAACCCTTAATGT  
TAAATGGTAAAAAAGTTGTTAATACCTTGATTGTATTGTTTAAACACAATGCATGCTAAATGGTAAAACTCAT  
AGAAATTATTTTAAATAAGAAAAAAAAGTTCATAGTCTATTGGTGATGTCCATCAACTTTTATTAGGAAGAAGT  
TGGTGATTTTTTCTGACTTCTAATAGAGAAACATTTCTTTGTAATGATTATGAATTGTATAATTGAGCAGAGT  
TTTTCTCCATAACCGTCCGCCGCCCTCTT

>trans\_c\_732 BT014790|Arabidopsis thaliana At5g24600 gene, complete cds

ATACTTGTGTCCAAATATGAAATACCTCCACTACTTGTAGTGGATAGCTTTATAGAACAGGATCGATTTTCATCA  
TCACTATTTTAAAACTAAAATCGTTTTGTACGTTTTTCTTTCCAAATTTAAATATAGGCGATTCTTGTTTCGAGCT  
TGCTGGATCTGATTCCGTTGTCTGTGAATTGAGACCTCTTGATAGGAACCTATTCGAGTTCCTTTTTCTGCAAGG  
CTCTGCTTTGTCTTTCCTTTGTCTTTCCTTTGCTTCAATCTCAGTCTATTCTATTCGGCGTCCTTTAGGTTCCATCG  
GGTATTAGAAGCGAGAAGAGAAAGCTGAGTGTTGAGCTTCAATGGAGGAGGCTGCTATTGACTTTCTTCTGG  
TTCCTTTAGGTCTCTGTTTGTGGTGGTCTATCACTTATGGTTGGTCTTACCATTTATCGGAATCCCAGACGGA  
CGGTCATTGGTCTCAACGCCGAGTCTCGCCGCCAATGGGTGTTTTGCGTGATGACTGATCCATTGAAGAATGG  
TGTTTTAGCTGCTCAGACAATACGAAACAAAATAATGGCATCTACGCTTTTAGCAACAACAGCAATAACTCTCA  
GTTTCGTTAATTGGTGTTTTTGTGAGCAGCTCATCTGACATGAGTAATGCAAAATTGCATCTAATTTATGGCAAC  
AAGTCTGCCCTTTGTACTTCAATCAAGTACTTCCAATCTTGTTGTGCTTCCTTGTTGCTTTTCTATGCAATGTGC  
AGTCAATAAGATACTATGCTCATATAAGTTTCTTGCCACTGTTCTACGTGGAGAGATCAGAAAGAGTCTATT  
CAGTATGTTGCCAGAACTTGAATCGAGGCAGCCACTTCTGGTCCGTTGGATTGCGAGCATTTTACTTCTCATT  
CCCTCTCTTTCTGTGGATTTTTGGGCCAATTCCTATGTTTGCTTGTTGCTGTATAATGTTATGTATTCTTTATTCT  
TGGACACAACGACTAGTTTTACACGGCAACTTCACAGCCGATCACTGAAGGAGGACCAGGAAGTCGATCTGG  
AATCACCTCGTCAGGTGTTGTAAGTACTGTTTGAGTCTCGTAATACCCTTGATCTAGGCAGTTCTATGAATATA  
TATCTTCAATGTTCCAAACCTATATCCAACATAGTCTAATATATAGTCATTAAATATGCTTGCTTCAGCTGAATT  
CCTGATTGCTGAAGACTATAGATTAACCTTGCTATATAATGACAACCTTTGACGAAGTGCCAATAAATGAAGG  
GCTGGTTTTATTCTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_733 AY274257|Cucumis sativus MutT-like protein mRNA, partial cds

TATGTCTTAAAGCTCATATACACATAAACCTCATTAGATTTTCATCATAAACACAAGAATTGAGATCACTAGTCTT  
GTACAATAACTTGGCTTGCTGATCCCATCCAAATTCTCAATTCTTAAACAAAAAATCAACTGATTTGTAATTCAA  
AAAGTATAATCAGTGCTAATATATAGTTTGAAGTATTTTCTTTTAAATCAGATGCCTGTAGCTGAAGCTAGAGAA  
GTGTGTAGACACTGGTGGATGAAGGAAGCTTTAGACATCTTAGTTAAAAGACTAACCATTGGAGAGCAAAAT  
GATAATGATCTTCTAGCAACTGATGATCTGTGATTGAAAGCTCAGTCTTGTTTTCTCCTTGTAATATGGAG  
AGAAAAAATGATTCTGCAGGGTGGGGGAGTCATGTGAATAAAAGTTAATGGTTTGGTTGGATCTTTCCTTTTC  
TGAAATCTGATGCCATCAACTCATAGAAAGAAGGAAGCCATGTTTCATGATATCACCGAAAACCTTGATCTGGCA  
CAAGCTGTTAGAAAATAAAAAAGACAGAGACATGGGAAAAGAAAGTGAAAGGGAAAGGACAATGAGATA  
AAGGGAAAAACTATAGCAGAAAATCAACTTGTACATGGTTGGGGCTGTTTCATGACTAATTGTGCCATAGTTTC  
TTTTCTTTTTGTTTTATGTATCATCAATTTGAAAGAAAATACAAAATAGATATTATTGAAAGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTA  
TCAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTTCCCCAAAAGGGGGCCAAATAACCCCCCCCCC  
GGGCCCCCTTTTTAAACCCCCGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTTAACCCCTTGAAACAACCCC  
CCTTTTCCCCGGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTCCCCAAAATTTCCCCCCCCGAAAGG  
GAAAAGGGAACCCCCCGGAACCCCCCATAAACCCGGGGGGGGGGGGGGTTCCCCAAAGGGACCCCT  
ACATTTGCCGCCCCCAACCCCCCCCCCTTTTTTTTTTTCTTTCTTTTCCCCCATGTTCCCGGTTTTCCCCGA  
AAAGTTTAAAGGGGGGGTCCCTTTTAGGGCTCAAATTTTGTTTTTACGCCCCCCCCCCCCCAA

>trans\_c\_734 FJ807473|Populus trichocarpa peroxidase (PO1) mRNA, complete cds

AAGTTCAGTGGACAGTGTGTGAAGAACCCTACAGAAAAATGGGTTCCAAACACTGTGTTTCTTCTTTCT  
TTTCTTGTGGCTGTTTCTTCAAGTATGCTTCAGCACATGATGAGGAAGACAATGGTCTTGTTATGAATTTTA  
CAAAGATACATGTCCCAAGCTGAAGATATCATCAAGAACAAGTTAGGCTTCTCTACAAGCGCCATAAGAAC  
ACTGCATTCTCTGGCTTAGAAATATTTCCATGACTGTGCTGTTCAATCCTGTGATGCCTCTCTGCTGCTGGAT  
TCAACAAGAAGAACCCTGTCAGAGAAGGAAACAGACAGAAGCTTTGGACTTAGGAACCTCCGGTATATAGAG  
ACCATCAAAGAGGCGGTGGAAAGAGAATGCCCTGGAGTTGTCTCCTGTGCAGATATCCTTGTTCTGTCAGCCA  
GAGATGGCATTGTTTCTTGGGGGGCCTTACATCCCACTTAGAACAGGCAGAAGAGATGGAAGAAAAAGCA  
GAGCTGATATTTGGAAAATCTTCCAGACCACAATGAAAGCATGTCTGTTGCTTGAAGATTGCTGCC  
ATGGGTATTGACACCCTGGAGTGGTTGCTTTACTAGGAGCTCATAGTGTGGTAGAACACACTGTGTGAAGC  
TGGTGCACCGGTGTACCCACAAGTAGACCCTGTGCTGAACCTGGCCATGTAGAGCACATGTTGTACAAGTG  
TCCTGATGAAATCCAGACCCCAAGGCTGTACAGTACGTGAGGAATGATCGTGGTACACCGATGATTCTGGAC  
AACAACACTATAGAAACATACTTGACAACAAAGGACTGCTGATGGGGGACCATCAACTAGCCACAGACAAG  
AGAACAAGCCATATGTGAAGAAAATGGCCAAAAGCAAGACTATTTCTTCAAGGAATTCTCAAGAGCCATTA  
CCATCCTTTCTGAGAACAACCCTCTCACTGGCACAAAGGGTGAAATCAGGAAGCAGTGTAATGTTGCCAACAA  
GCTGCACTGAGTTACGGCAAGCTTGCTCAAGATCCACGTGATCTGCCTCTCTGGTTAAGGGAGATAAGGGA  
GTGAGTGTGGCTGAATAATTAAGATTGTGGTTTATCCACCTGTTGTAAGCTAAAATTAACGTGGTTGTGTTA  
GAGGGAGGCTGTGCTGGTCACTGCTGCTTCTGTTTCTTTAGGATTATGTCAAGTTGTGCTTGCTGTGAGCT  
TTGTGTTGGTAAAGGGAATGTATGAACGGATGTTGTAAGTATATTATGCATACACATGTGGCG

>trans\_c\_735 NM\_106628|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT1G79790) mRNA, complete cds

TCAGATTTGACTTGCAAGCGAAGGGGCCATGGTCTTGGAGCTGTTGTGCTTCTGCCATTGAACTAACTTTAAT  
GGCTTCTCTTTAACCCAAACCCACCTCTGTTTCCTTCTCCTCAATCAGACCTCCTCTTCAATCCATCAAAA  
ATGGTGTCCAATTTCAACCAACAAGCATTATCACCAACAATACTGACGTTATTGCCCATACCAAACTCTTCTCG



TCTTCTCTTCAATGGCTACTGGTTGTAGCTCCGCTGGTGGTGATAACACCTCTAGGAAGCTTCTGTTCTGCTC  
TTTGACATCATGGATACTCTCGTTCGTGATCCTTTCTATGATGACGTTCCCGCTTTTTTCAGAATGCCCATGGAG  
GAACTTCTTGAACCTCAAAGATCCAAGTGTATGGATAGAATTTGAGAAGGGTTTGATTGATGAGGCAGAACTG  
GAAAAGAGATTCTTTAAAGATGAACGACCGATAGATTTTGAAGGCCTCAAAGCTGTATGATAAGCGGTTACT  
CTTTCCTAGAAGGCATTGAAGAATAGCTAATTGCTCTTAAAGAGAAAACTATGAAATGCATGCCTTCACAAA  
CTACCCTGTTTGGTACGAAATGATTGAGGAGAAGTTGAAGATCTCGAAATATCTATCATGGACATTCTGCTCTT  
GTAAAAACGGAAAGAGGAAGCCGGATCCTGAGTTCTACTTGGAAGCCTTGAGACATCTCAAAGTTGAAACAG  
CTAACTGTATTTTCGTTGATGACAGAAAGAAGAATGTAGAAGCTGCAAAGAAGTTGGCATCAATGGCCTCCA  
TTTCAAAGTGACAGATTTACTATCAAAGGATCTCTGTCTTCTAGGACTTGATATTTACCTGATACAAGCTCGCC  
TTAAATCAACATCTATATATCTGCAGAACATGTTGCGCAAGGTTCAATTTCTTTTCCATTTTAAATGAAAA  
ATAAACTCATATTTCTTTAATTCCATTGATCTTCGTGTTAAGTTGGAATGCTGTTCTTAATATTGTTCCAGCTGG  
GGATTCTTTTACTGTGCAAGACCAAGAAATAAAAAATAGCAAATAAAACATTAACTGTAATCTATTTAAATC  
ATGGGCAGACTTAGCAGGGACTATACCAATTAGGTTTTCTTCATTGGGATCTTTGGAAGATAGGACATAATT  
CATGTGGAAGCAATGTCAACATTGTCTTTTCAAGATGTTACATACTCTTTTGACGATTTTATAGTTACACTTGC  
TGAAACATTGCTTTAAAAA

>trans\_c\_736 NM\_106723|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7A) (AT1G80750)  
mRNA, complete cds

AGGGTTTTCTTCTCTCTTCACTTTCACTTTCCCTTGCCGGCCGTTCTTCCCCGCTCCACGCCGCCGAGTTAT  
CTACCCTCCTTATTATTGTTTGGTTTAAATCACCTTGTCTTCTCATTCTCTCATTCCCCCCCCGCTCGC  
TTGTTGGCCGCCCCACCACTCGCATCTCTGCCCCACCTCTCGTTACGGCTTCGATCTCTCGTCCATCAACGAT  
ACGCTTCGTCCCTCTTCTCATTCTTTGGCTTCGATTTCACTTTAACTGCTAACAGGTGAATTACTATGGCTAT  
GGCAGAGGAGGATCCTAAGCCACTTGCATATATACGGGAGATTATACTGAAGAAAAGAAAGGTAAATGAAGC  
AGCGGCATTGAGAAGAAAGGAACAGTTGGAGTTAAGGAAGCTTAGTTCGAAGAAAAACAAAGATGGTTTTAT  
TAAACTACCTGAGGAATTTGTCAGAGAATATCGTGCTAAGGAACTGGACCTTGTCAAATGAAGCACAGGAC  
AAAGAGAAAAAGATCTGCTATTGTGCCCTCAAATCACAATTGATTTTATAATTCGGATACAGGGCAAGAAC  
GACATGCATCCAAAGACAAGGAAGATCTTATATAATCTTGATTAAAGTAGAATTTTCAGCGCAGTTTTTGCCAA  
GGCTAATGAGAGTGTTCTAGGGAAGCTACAGAGGGTGGAGCCATATGTGACATATGGATACCCTAATCTTAA  
AAATGTGAGGGAGCTCGTATATAAGAAGGGATTGCAAAGATAGACAAACAAAGAGTTCCTCTGACTGATAA  
CAACATTATCGAACAGGCATTGGGCAAGCATGGCATCGTGTGCGTGGAGGATATGGTGTATGAAATCGCTAA  
TGTTGGCCCTCATTTTAAGGAGGTAATTCCTTTTATGGCCCTTGAACCTGAAAAGCCAGGAGGAGGGGGC  
TGCTTCAAGGGAAAAAGTCATCGTACAAGGATGGTGGAGATGCTGGGAATAGAGAAGATGACATCAACGA  
TCTGATTAATGAGATGAATTAGGCTGGAAAAATTTGCTTTGAAAAGCCTGAAGGGGGGAGATCCAGTAGTTT  
CTGTAATGCAATTTGTAGGTTATAATGAGTTTGTATCTTGTTCAACTCATTTGCTTCATATGTTTTGGGTTTTT  
TACGTTATTTCTTATGTCCTAGAGAAAAAAGAACAACCTGGATTTGTTATATATTTAACAACATAATATTATCC  
ACATTATGAGAGACAAAGCCTCCCTCTGTCTAAAAA

>trans\_c\_737 AF443118|Gossypium hirsutum polyphosphoinositide binding protein (Ssh2) mRNA,  
complete cds

TCGTCTTCTTCTTCTTCAACTCTGTAATAATGGAGACGATCTAGTACTATTACAACCTCCTCTCTCTCTCT  
CTCTCTGTCTCAAATCACACTCTTTTCATATTCATGGCGACTCACCATTGACTCCTCTAGAGCTTAACGGAAA  
GTCAATGGAAAACCTCAGAGTGGACGGAGGAGGAGGAGGAAGACGAAGATGTAGAAGATGACTTCAAGGAG  
TGTGTTGAAGAATCGAATGGTTCTTTAACGCCTGTGATCAATGATAACTGGATTGGAATGAGGTTGAGAAAC  
AGAAGTTGCGATCATGAGAGCTTTGTTGAAAAGGAAGACTCCTCTGCTAAGGATGTAGATGATTCATGAT

CCAAAGGTTTTTACGAGCTCGTGATTAGATATAGAGAAGGCTTCTGCCATGTTTCTAAAGTATTTGAGCTGGA  
GAAGATCTGCTATTCCTAACGGATTTATATCACCGTCTGAGATATCAACCAATCTTTCTCACAACAAGTTGTTTA  
TGCAAGGTGTTGATAAGAAGGGACGTCCAATTGTAGTTGGCTATGGTAACAGGCATAAACAGGGAAATCTAG  
ACGAGTTTATTCTGTTATGTAATCTTTATTCTAGAGAAAATAAGTTCCAGGATGCCAAGTGGGCAGGAAAAGTT  
TGTGTGATTGGTGACCTTCAAGGATGGGGATACTCTAACAGTGATATTCGTGGATATCGAGCATCTCTACAA  
ATCTTGCAGGATTGCTACCCTGAGAGGCTGGGCAAGTTGTATATTGTACATGTTCTTACATATTCATGACAGC  
ATGGAAGATGGTTTACCCATTTATTGACAAGAAAACCAAGAAGAAGATATGCTTTGTGGAGGACAAAAAGCT  
GAGATCCACACTACTTAATGACATCGATGAGAGCCAACCTCCCTGATGCATATGGAGGCAAACCTTTCCTAGTT  
CCAATCCAAGACTGCTAAATAAATGACCATCAAACAAATACAGTTGCAACGTAACCTGATGCAATCCAATCTCTC  
TCTATCAAAAATCTTTAAGGTCAATACTCATTACCTTCTCTTTTCTCTCTACCTTTCTTTTACTTGTTTTCTA  
GTTATGCTTCTAAGGTTTAATTAATAATAGTATGTATAAGCTTTGAAATAACTCTACTACAGAAGTTCTATTGTAG  
AAATCATACTCCTATCTATGTTACTACTGAACCTCAAAGATGAGTTATTCTTATTATCCCAATTTTATGAATAATG  
GTCATACTATAGTTTGGTTCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_738 AJ003197|Lupinus albus mRNA for adenine nucleotide translocator

AACTGACCTTTCTACTGTTGCCACAACCTGCTTCCCCATTTTTGTTGCTGCCCCTGCTGAGAAAGGAACTTTAT  
GATTGACTTTCTTATGGGCGGTGTGTCTGCTGTGTCCAAGACAGCCGCTGCCCAATTGAGCGTGTCAAA  
CTCTTGATTCAAATCAGGATGAGATGATTAAATCCGGACGTTTGTCTGAGCCATACAAGGGTATTGGTGATT  
GTTTTAAGCGCACAATCAAAGAGGAGGGTTTCGGTTCATTGTGGAGAGGAAACACTGCCAATGTATCCGTTA  
TTTCCCCACTCAAGCATTGAACCTTTGCTTTAAGGATTACTTCAAGAGACTTTTCAACTTCAAGAAAGACAGGG  
ATGGTTACTGGAAATGGTTTGCCGGTAACCTGGCATCCGGTGGTGCAGCTGGTGCTTCATCTCTCTTTTGT  
TACTCTCTTGAATATGCTCGTACCCGATTGGCAAATGACGCCAAAGCTGCCAAGAAGGGTGGAGAAAGGCAA  
TTCAATGGATTGGTCGATGTCTACAGGAAGACATTGCAGTCTGATGGTATTGCTGGCCTTTACCGTGGATTTA  
ACATTTCTTGCCTTGGTATCATTGTCTACCGTGGTTTATACTTTGGAATGTACGATTCTCTGAAGCCTGTTTTGT  
TGACCGGGAAGATGCAGGATAGTTTCTTCGCTAGCTTTGCCCTTGGTTGGCTCATCACCATGGTGCTGGTCTC  
GCATCCTACCCAATTGACACTGTTCTGTAAGAATGATGATGACATCTGGTGAAGCAGTGAAGTACAAGAGCT  
CATTGGATGCCTTCTCTCAGATCTTGAAGAACGAAGGTGCCAAGTCTCTCTTCAAGGGTGGTGGTGAACATT  
CTCCGTGCCGTTGCTGGTGGTGTGCTTGGCGTTACGATAAGTTGCAGGTGATCGTCTTCGGGAAGAAAT  
ACGGATCTGGTGGCGCTTAAGCTGAGGTAGTTAACCTCACCTCGAAGGTAAATTCATTTTTCAGATGTTGATG  
AAAATGTCTCCAGAGTTTTAGACTTGGTTCTGGTGATTTTTTCTTCAATAATTTAGTTTTGAAGGGAGTAATT  
CCCGAACATTAATTATCATTTAAAGGATACAATTTAGTTTTGGACTGAGATGCAGAGTTTTTAGATATGTGTTT  
CACATTGGGGTTACCTTTAGAATCTCAAAATAACTTCTCGGATAATTTTATTGAATTGTATTATGTTTATTAC  
GCAACTTAACTTTCAATTACTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_739 XM\_002867351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thioredoxin family protein, mRNA

GCCATCTCGAATCCTGTAAATCGTAAAAATCCTCTCTTTTCTTACGCGCACACTCTCCGGAGGTACTAGAATTC  
TGATTTTTTTTTTTTTTTTACTCTTTCAAGCTGCAGAAGAAAACATAGCCACAATTACAAACAACCCTTCTTCTC  
TTCTTCTTCTTCTTCTTCAACCTCTTCCCGTTTTCTCTCTCGACTTCCCTTTACCCCATGCTGTTTAGCTAGTT  
CCTCGTCTATTGGGATTTTGGGGGAGAACTTTTGTCTTTTCAACTTGAATTTTGCCGCTTTTGTCTCTAAATG  
GCCGATGTTTTTAGGTTCTCGTCTCATTCTTTCTATTCTCCTCCACTTCTTGCCACCCTCCTTCGCTCGTCTTA  
CAGTTCCCTTACCCATCTCTCCATCCATTCAAACCCAGAAAAGAGGTCGAGTCCTATGCCATGTTATCCAC  
TAGCTATGCAATGCCTCTTTCTTTCAGACCCAGAAAGAGGTTGGTATCTTCAAGGTACAGGCTGCTGTGGCTG  
AAAAAGACCAGCCAAAATGGTGGGAAAAGAATGCACCAAACATGATTGATATACATTCAACACAGGAATTTT  
GACTGCATTAAGTGAAGCTGGTGATAGATTAGTTATTGTAGAATTTTACGGAACCTGGTGTGCTTCTGCAGG

GCATTATTTCCCGGCTCTGCAGAACAGCTGATGAACACCCTGAGATTTTATTCCTAAAGGTCAATTTTGACGA  
AAATAAGCCAATGTGCAAAAGCTTGAATGTCAAGGTCCTTCCTTATTTCCACTTTTATCGTGGAGCTGACGGCC  
AGTTGGAGTCCTTCTCATGCTCACTCGCAAAGTTTCAGAAAATTAAAGATGCAATTGAGATGCACAACACAGC  
TCGTTGCAGCATTGGGCCGCCAAAGGGAGTAGGCGATCTTATACTGGAGCCTTCCTTGCTCCTAAAGACAAA  
CAATAAACAGAAGCTTCATCATAGACTTGCCCAAAGCCGCATCGGTATCATTGTGCATTCCCCTGATATTAGTA  
TAACCTTCTTGTTTTATTTTTTTAAAAAAGATTCTGCAGTCAGCTATCCAATCTGTAAATTGTCATTCTTGTTCT  
GTAAAGAATTGAGAAGTTGAGAATACCAATCATAAAATATTTTGCTAATTTTATCTGCTTCTTGCTAGCTT  
TGACTTTTGTACTTTGAAACAAGTTACATTGGATCAAGTTCTAAATACATGCCAGTGATTCAATTGGTTTCATT  
GTCTAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_740 NM\_179249|Arabidopsis thaliana TPK1 (THIAMIN PYROPHOSPHOKINASE1); thiamin  
diphosphokinase (TPK1) mRNA, complete cds

ACTGTTCTTCGCTTAAGCTTAATTTGCTTTCATTTGAATATATTCAATCAGTTTCTGGAAGTCTTCAGCTTTG  
ACTACCTAAACATCAACCAATTGCTTCTCAAATCCGTCCTTCCTTCACAAAATCTCTCCAATCTCTTGCAATTCC  
GTCATGGAAGTCCTGTTCCACTCTTCAGATTTCCTTCTCCCTTCTCCTTCTTTCACCGCCCAACCACCGCCGTT  
CTTCAACCTACGCCCTTGTTCTGCTCAATCAACGCCTCCCCAAATTCACCCCTTGCTCTGGAAGCACGCACAAC  
TTCGTCTGTGTGCCGACGGAGGCGCCAATCGTGATTTGATGATTGCCTTTGATGTTTCTCATCTAGATGCTT  
TGGATGTTTCGTAATAGCTACAAGCCAGATGTTATTAGAGGAGACATGGATTCAATTCGGACAGAAGTACTAG  
AATTTTATGCTAAGCAAGGAACCAAGATATTTGATGAATCTGAAGATCAGGATACCACAGATCTTCATAAATG  
TGTTGCATATATTCTTCAATCTATTCCAAATCAGGAGTCTAATCTGTGTATACTTGTTGCTGGAGCTCTGGGTG  
GACGGTTTGATCATGAGATAGGAAACATTAATGTTCTATGCCGTTTCTCAACCACTCGCATAATACTTCTGTCT  
GATGATTGTCTTATTCATCTTCTGCCAAGGACTCATCACCATGAAATCCTTATTCATTCTGTAGAGGGGCCA  
CATTGCGGTCTCATTCCAATTGGAATGCCTTCTGGAAGCACGACAACCACTGGTCTTCAATGGGATTGAGTG  
ACACGGAGATGAAGTTTGGGGGTCTAATTAGCACATCAAATATAGGTAAAGAAGAGAAGGTAACAGTGCA  
ATCTGACTCCGATCTTCTCTGGACGATCCCATTAAGCCAAAATTAGCAAAAGCTTCAATTAATTTTCAGCA  
TTAGGTAATGGAATCTTCTTCTCCATTTGAAATAAGAATAATTTGAAGATTACCCCTTCACATCTCTAGT  
AGATTTTATAGTATTTGAGTTTCAATTAGATTCAATTTGGCATGTACTTAAATTTCAATTTTATTTGAGTAGGAAG  
CGTGTGTTGCAATGGGTAAAGTTTCTTTTCTTTTACTTGTGATTTTGGAGGTCAGTGCCACTATATATGTCAA  
TTGTATTTGTAACACCCAATAATACTCTCTTATTTGTTGAGAGCTAAAGTATACTTTATCAGCAATGACATT  
GATTTGTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_741 FJ906848|Jatropha curcas vacuolar protein sorting-associated protein VPS28 mRNA,  
complete cds

TCTCTACCATTCACAAATCGTCTCTCTTCTCTCATCAGGTGAAGAAGGTCTTCTCTTTCGCGGTGTCCCGTTC  
TCTTCTCCAATCCTCCACAGAACATAAAACCCCAATTTCTCTTCACCATTCGCACCCCGAAGATTGATTCAATG  
GAGGTCAAGCTTTGGAACGACAAGCGCGAAAGAGAAATGTACGACAATTTTGAGAGCTCTACGCCATTATC  
AAGGCTACCGAAAAGCTCGAAAAGGCTTACATCCGTGACATTATTTCTCTCCGATTACGAGACCGAATGCTT  
CAAATCATTGCACATTTCAAGACCTCGCCTCGACGCTCAAGGACACAGTCCCGAGTATTGAACGATTGCTG  
ATACTTACAAAATGGACTGTCCGGCGGCGATCAACCGTCTCGTGATAACTGGGGTGCCTGCCACGGTGGAGC  
ACAGGGCGACCGCGCTGCCTCCGCCACCACCTCCGCTGCTATTGTGGCGGAGTGTGTGCAGAACTTCATTAC  
GACTATGGATTCAATTGAAATTGAACATGGTAGCGGTTGATCAGGTGCACCCCTTGCTCTCGGATCTTGCTGCCT  
CATTGAACAAATTGACCATTCTGCCCCGGATTTTGAAGGGAAAACGAAGATGAAAGAGTGGCTTGGACGAC  
TTTCGAAAATGGGTGCCGCGGATGAGTTAACAGAGCAGCAGGCTCGGCAGCTTCACTTCGATCTTGAATCTTC  
TTATAATTCATTCATGGCGGCTTGCCTACTGCTGATGCTGCTATGTGCCAAGAGCTATATCCACATCTGATCA

ACAAATCCTTTTTAGATACTTTTGGGGTTATGTGGGGTTGGATTTTGTGACTTTTGTGCTTTCAGTTCCAGAAC  
TCATGGGTTACATTGTTACAGTTCTTTATCAGAAACCTGCCTCGTTTCCTCATAACTTTTTAAAGTCTCTGCTCAT  
ATTATATTGTCCTCCATACTGAATTTCTTATTAATAAAGCATGTCAATCTAAGTCATGGCAAGTATCTAGTGAC  
AATCTTTCCTTGGAGACTACTTTTATCCCTGAAGGCGGAATCCATGACCTTCAAGTAGGAGTTCAAGGAAGT  
TGTAAGTACTGACTAGTTTATTGGCAAGGCTCCCAAATTCTTTAGCTACACCCACTTATCTTTGGGATTATGGTT  
AGGCAATCTCTTGATGATGATTGAGATGTTGAAGTTGTATTTATATTGTAACAGAATTAATTATAGTTTGAAGA  
TATCATTGAACTCTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_742 AB195174|Nicotiana tabacum NtPITSLRE alpha mRNA for homolog of mammalian  
PITSLRE alpha protein kinase, partial cds

CAGTACAACCTATTGCGTAAGAAATCCCGGCGACATCATTTACCGGTTCCGACAGTTCTTTCTGATTGAGGATT  
TGATTTGTTGAACAACTTCTAACTTACGATCCTGAGAAGAGAATTACAGCTGAGGCCGCTCTTAATCATGAAT  
GGTTCTCAGAAGTTCCTCTTCCAAAGTCAAAAGAATTCATGCCTACTTTTCTGCTCAGCATGCTCAGGACAGG  
CGTTTACGGAGAGTAATGAAGAGTCCAGACCCCTTAGAGGAGCAACGTAGAAAGGAGTTGCAGCAAGGGGA  
ATTGGGAACATCTGGCTTGTGGCTAAGAGAACGGATCTGGTAATTTGGCCAAGGCTGCCTTGAAGTTATTT  
TTCTAATAACTCTGACTATTGGACCTGATTGAGGTGAGGGAAGAAGGCTGTGAATCTTGTGTTTGACAGATGAT  
TGCTAGTGCTATTTTAGCGGGCATTACGGTTATCTGGTTCAAGATATGTATTTTTTTTTTTGATTCTGTCAAG  
AAGTCTATTGCAGCTTGACGTCAATCTTCTCCTCTGGTCATCATATAGAAAATGCTTCACTGACACGGCTTGCA  
TGGCAAGGTGCGGAACATTGTTGTTTTCTTGCAAAAAGATCAGATTCAGCAGAACTAATTGTGTAACATAT  
TCCTATTGATAATTAGGCTGTTGGCCATAAATTTTATTATAATATTAGATTACCATGGATTTACTGCCTACATA  
GTTCCAATATATCTCTTTTATTGAAATTGTGTTTGCAAGAGATGGTTGGTGGGAAGGGAAGGCGGTCTTTG  
CTTCTCGTTGGTGAAGAATTTGACAGTTACGTTAGTTTTTCAAAGTATCAAACTAGCAGGTTGAGGAGCTTAC  
CTGCATTGCTCTGGAAGGTATTAAGTTAGTTCTTGAATCGCACACTTGAGAAAAATATGGTTAACCAGACTTTA  
AGCTGACTGTTATAAGTGTGCTATCAAGCGTGGCGGAGATCGATCCAACATGAAGGCGGCGTTTGGTCTTGG  
TCTTGGTGAATAATCCGTAGAACCAATCTCAAACCATTTGTCCGGCTTAAAAATGCACTCATTACAATGGA  
GGAGGTTTTCTGAACGCTGGTTTTATGGTATCTTATATGGTTCTCATTACAATACATCCAAATTAGATCAGTAT  
ATTTGATGTACTTAATAAGTTCTGAGTAACACTAATTTGGTAATGCAAATGCTATTGTTCTTTAGGAAGTTCT  
TAATAAGTTCCAATTGTTGAGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_743 XM\_002872709|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UV-damaged DNA-binding protein  
1A (DDB1A), mRNA

TGAAATGCATTTTATTCGCTTGTTAGATGACCAAACCTTTGAGTCCATTTCAACCTATGCTCTCGACACTTACGA  
GTACGGGTGTTCTATTCTTAGCTGCTCTTTCTCAGATGACAATAATGTATATTATTGTGTTGGAAGTGCCTATGT  
TATGCCGGAAGAAAATGAACCAACCAAGGCCGATATTGGTTTTTGTGTTGAGGAAGGCAAACTACAGCT  
TATTGCTGAGAAAGAACTAAGGGATCTGTTTATTCCTTGAACGCCTTCAATGGAAAGCTGCTGGCTGCTATTA  
ACCAGAAAATTCATTATACAAGTGGACGCTTCGAGATGATGGTACTCGTGAGTTACAATCTGAATGTGGGCA  
CCATGGACATATACTTGCTCTCCACGTGCAAACCCGTGGAGATTTTATTGTTGTTGGTGATTTGATGAAGTCCA  
TATCCCTGTTAATCTACAAGCATGAGGAAGGTGCTATTGAGGAGAGAGCCCGGACTACAATGCAAATTGGA  
TGTCAGCAGTTGAAATTTTGACGACGACATTTATCTTGGTGCTGAAAATTACTTCAACCTCTTCACTGTTTCGAA  
AAAAATAGCGAAGGAGCAACTGATGAGGAGCGCAGCCGCCTAGAGGTGGTTGGTGAATACCACCTTGGTGA  
ATTTGTTAACCGTTCCAACATGGGTCCCTTGAATGCGTTTACCAGATTCTGACGTTGGTCAAATTCAACTG  
TCATTTTTGGCTCTGTCAATGGTGTTATTGGGGTCATTGCTTCACTTCTCACGATCAATATGTATTCTTGGAGA  
GGCTCCAATCCAACCTTGAGGAAAGTGATCAAGGGTGTGGGAGGACTGAGCCATGAGCAATGGAGGTCTTTCA  
ACAATGAGAAAAGAACTGCAGAAGCCAAAATTTCTTGACGGGGATCTAATAGAGTCATTCTCGACCTCAA

CCGCACTAAAATGGAAGAAATTTCTCGGGCAATGGGTGTTTCGGCCGAGGAGCTTTGCAAGAGAGTAGAAGA  
ATTGACAAGGTTACATTGATCTCCAACCGGGCTGTACTTCTATTCAATTTGATTTATTCATTGTTTCTCACTAGTC  
CGGAGTTACGTTTGGATTGGATTACTATCTTAGTTTTGATCTAAGAATTATAAACTAATGTGCTGTATATTTGG  
TGATCTTTGTTTCATAGAGCCTTTCTGTGTGCTCTGCTTTATCACAGAGCATATATGGTTCAACATATAGCTAATA  
GATCATATTTAAGACTTACACTCCTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_744 NM\_120093|Arabidopsis thaliana CAD9 (CINNAMYL ALCOHOL DEHYDROGENASE 9);  
binding / catalytic/ oxidoreductase/ zinc ion binding (CAD9) mRNA, complete cds

AAGCTTAATTCCGAGAGAAAAATGGCAAAATCACCAGAAAACGAACATCCAATCAAGACTCTGGGATGGGGT  
GCTCGAGATTCATCTGGGTTAATCTCTCCTTTCCCTTTATCTCGAAGGGAAAAATGGTGATGAAGATGTCAGTAT  
CAAAATCCTTTACTGTGGTGTTTGCCATTCTGATCTACATACAGCCAAGAATGAATGGGGTAACACAAATTATC  
CAGTTGTCCCAGGGCATGAGATTGTTGGTGTTGTGACCTCTGTTGGGAATAATGTGAAGAAATTCAAAGCAG  
GCGACCAAGTCGGAGTCGGTGTGATAGTTGAATGTTGCAAAGTTGTGAAAATTGAGAAGAGGACAGGGAG  
AATTACTGCCCCAAATTGGTATATACTTACAATGCACATTTACATGATGGATCGAAGACATATGGGGGATATTC  
CGATAAGATCGTCGTCACACCATTGCGTGTTTCGAATTCCCGACAGTTAACCCTGGCTGGTGCAGCTCCAC  
TTCTATGTGCTGGAATCACAGTTTATAGCCCCATGAAATACTATGGAATGACTGAATCTGGTAAGCATTGGGT  
GTGGTTGGTCTTGGTGGGCTTGGTCATGTTGCTGTTAAGATTGCTAAGGCATTGGGTTGAAAGTTACTGTCA  
TAAGTACTTCTCCAAGAAAGAAGGAGGAATCTATTAGCAAGCTTGATGCCGATTCTTTCCTTGTTTCAACTGAT  
CCTGAACAAATGAAGGCTGCAACAGAGACAATGGATTACATTATAGACACGGTATCTGCTGTCCATGCTCTCG  
ATCCATTGCTTAGTCTTCTAAAGCTGAATGGAAAAGTGATCACTGTGGGTTTACCTGACAAGCCCCAGAGCT  
GCCAATTTCTTCTCTAGTTAACGTTAGGAGGATGGTTGGTGGAAGCAACTTTGGAGGGATGAAAGAGACACA  
AGAGATGTTGGATTTCTGTCCGAGCACAAACATTGTAGCAGACATTGAGCTCATTAAAGATGAATGACATAAAC  
AATGCCATGGAAAGACTTGCCAAATCCGATGTTGATACCGGTTTCGTGATCGACATTGCAAACCTCTTGAAAT  
AAATACCACAAAACCTTCGCTACACAGTTGGNTTGTGGCGAACATTTGGTTTAACTGTCACGGTTGTAATGTGT  
TGGGTCTATCTTTGTTAAGCTAAATAAGAGTGTTATGAGTTGATATCTTTCATCCATGATCATGTAACAATTTTC  
TTGAATAAAACTGGCTAGAAGTGAGATTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_745 AB522604|Cucumis melo CM-ACO1 gene for ACC oxidase, complete cds

CAAAAACAAAACCTTGATACCAAAGAGTTCTTTTTCTTTATTTGCACAAACCAAATCTTGATCTACAAAAAGA  
AATGGCTGTCTTTCCTATCATCAACTTGAAAACATCAATGATGATGGTAGAGCTAAGATATTGGAGCAAATT  
GAAGATGCCTGCCAAAATTGGGGTTTCTTTGAGTTGGTGAACCATGGGATCCCATGAGTTTTTAGACATGG  
TGGAGAAGATGACAAGAGATCATTACAAGAAATGTATGGAAGAGAGGTTAAGGAGACTGTGCTTAGCAAA  
GGCTTAGAGGCTGCACAAGCTGAAGTTAATGATATGGATTGGGAAAGCACCTTTTTCTTACGCCATCTTCCTG  
AATCAAACATCTCCAGATGTCTGATCTCGACGAGGAGTATAAGAAAATTATGAAGGAATTTGCGAAGAAATT  
GGAGAATCTTGCTGAGGAGTTGTTGGACCTGCTATGTGAGAATCTTGGGTTGGAGAAGGGTTATCTCAAAAA  
GGCTTTCTATGGTTCAAAAGGTCCTACATTTGGAACAAAGGTGAGCAATTATCCGCCGTGTCCCAAGCCGGAC  
CTCATCAAGGGTCTTCGAGCCCACACCGACGCCGGTGGCATCATCTCCTCTTCCAAGATGACAAGGTAAGTG  
GCCTGCAACTCCTGAAAGATGGCAACTGGATCGACGTGCCCCAATGCGCCACGCCATTGTGTCACACCTCGG  
GGACCAACTTGAGGTGATCACAAATGGAAGATACAAAAGTGTGATGCATAGAGTGTTAACTCAAACGAGTGG  
AACTGGGCGAATGTGATAGCTTCATTCTACAATCCGGGGAGCGACGCGGTGATCTACCCGGCGCCGGCGCT  
AGTGGAGAAAGATCAGGATGAGGAGAAGAAGGAAGTGTAACCCCAAGTTTGTGTTTGAAGATTACATGAAGC  
TGTATCTAGGAGTAAAGTTTCAGGCGAAGGAGCCAATATTTGAAGCCATGAAAGCCAATGCTAATTTGGGTCC  
AATGGCAACAGCATAATTAACACCCACTTTTTTATTAAATAGTAATAAGGAATATTAGAGGGCTTGTCTTTGT  
GTTTGCCCTTTTTAAGTGGGTCATCATTATTGTTATTAATTTAGTTGAAAAGTCAAAACCAAATATATAAATAT

ACATATATATATATATGTTTGGTAATTGTAGCAACTTAATAGGCTAAAAGCTAGTATAAGGATTAAGGAGTCTT  
GTTCTCAATTTTCTTTATAATTTAAATTCACTTTCAGCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_746 XM\_002890057|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartate-glutamate racemase  
family, mRNA

AAATAAAAAATGGAATCTTTTGTTCGAAACTTCTTCCTTGAAGTCGCTCACCAAATCCTGATCCACGTTTGTTT  
TATCATCTCTTTTCCGGTGGGAAAAAGAAAAATGGACGATCTACATTCTACGGGGATCTTCACCATAATTCGGA  
TAAATGCTGTCTGGAACCACGACACTCTGTCTGAAGTGGACAAGTTACTAAATTTATGTGAGAATGGTTGCTGT  
TGTTCTAACAACAAAGATTCCCTCCCACTTCCACTTGCTTCAGCTCCTACTTCCCCATCCATTTCTGAATGATTCT  
TTTCCCAAGACCCTCAAATACAAGAGATTGTTTGTATTTCCTCTTCTTCTGCCATTATTGATCTTTCTTCTTTTA  
TCTCTTGGTCTTTTTTGTCTTGATCTTGAGAGGAAGATAATTGGGTTTTGTTTAGGGATTGATATTCAGTTTTTC  
CCTCCATTTTGAGTGCCAGAGAGGGGGTTTCTCCTGTTTTGTTGCTGATATTGCAGGTAATTTCAATTATTCAA  
TTGACCCAATAATGAGTTTGTGTTCTTGTGATGGGAAATTGTTGACTGGGTTTCTTATTGTTGAAACCCAGAT  
GTTTTTGAGGATTGACAATGACTTTCAGCTTTTAAGTAGTCAATCTTGTATATCTGCTTATGTAAATACTCGTA  
GAATTCAGCTACAATGGAGGTTGAATCCTGTTTCAAGGCTTACCACCATCAACTCTATTGCACACTGATGAAAGC  
GAACATTTTCCAGAATCTAAAAAGACTTCTGGGTTCAGCTCAGTATTGAAAACGAATAAGATTCAACTGGTA  
TTTTGCTAAGTCAATCAAATACAGTGGGTATATTAGGAGGATCTTCTGTGAATTCTACTGTAAACTTCTTGGGA  
AAATTAGTTAAATAGAGTACCAAAGATGGAGAATCTCAATCTGGTCTCCCTTTTGTCTTTGCTCTGACCCAAT  
CTTAGTAACGAGCTCCAAGTGTTTGATAAAAGTTCTCATCCAGTTCTCAACTACAAGAGTGAGGATTAGGATT  
GGACTCTGAGTTAGTAGTGGAGAGTCTGAAGAGAAAGAGAACTTTTCTCGAGAATTCAGGTGCTCGTTGCATT  
GTTATGCCTTGTACATCTCTCATTTATGGTATGAAGATGTTTCAAAGGGTGTCTGTTACCTTCCTTCACATG  
GCTGATTGTGTTGCTAGAGAGCTCAAGGAAGCGAAGTTGAAGCCACTCGAAGCTGGGAGTCCCTTAAGGATC  
GGAGTTCTTGNCACGAATGCAATTTTAAGTGAGGGTATTATC

>trans\_c\_747 NM\_001124071|Arabidopsis thaliana peptidase M1 family protein (AT1G63770)  
mRNA, complete cds

TGTCTTCTCGGATATACCTGAGCGGCCAGTTCATCTTTGTTTAGGGGCTACAGTGCTCCTGTCCGAGTGGA  
CAGATCTATGTGACGATGATCTATTTTCTCCTTGCCAATGATTGAGATGAGTTCAACCGTTGGGAGGCTGGA  
CAAGTGTTGGCAGCAAATGATGCTCCAATGGTGGCTGATCACCAGCAAATAAGCCATTGGTTCTCAACT  
CAAAGTTCATTGAGGGTTTGAATCCATACTTTGTGACGCGAGCTTGATAAAGAATTCATTGCCAAAGCAAT  
AACTCTTCTGGCGAAGGGGAAATAATGGACATGATGGAGGTTGCAGATCCTGATGCTGTTGCTGTTGCTG  
ACTTTCATTAGGAAGGAACTGGCCAATGCATTGAAAGCAGAGCTTCTTGCTACAGTAGAAGAGAATAGGAGT  
TCAGAAGCATATGAATTTAACCATCCTGAAATGGCTAGGCGTGCTTTGAAGAATATTGCTCTAGCATATCTTGC  
AGTAACTGAGGATACTGAGATTGCCAGTCTTGTGCTTCATGAGTATAAGAATGCCTCGAATATGACTGAGCAA  
TTTGCAGCTTTGGCGGCTATAGCTCAGAAGCCAGGTGAACTCGTGATGAGATTCTTGCTGACTTCTATGACA  
AGTGGCAGCATGACTATTTGGTTGTCAATAAATGGTTTGCTCTTCAAGCCATGTCAGACATTCTGGTAATGTC  
GAGAATGTTGGAACCTCCTAAATCACAAAGCCTTTGACTTGCGAAATCCAAACAAGGTATATTCTTTGATTGG  
AGGCTTCTGCGGATCAATCGTCAACTTTCATGCAAAGGACGGATCAGGCTACAATTTCTTGGGAGACATTGTC  
ATGCAACTAGACAAAATTAATCCCAGGTTGCCTCTCGAATGGTCTCTGCCTTCTCGAGATGGAGGCGTTACG  
ACGAACAGCGACAAAACTTGCTAAGGCACAATGGAGAGGATAATGTCTGCCAATGGACTGTCCGAAAATG  
TGTTTGAAATTGCATCAAAAAGCTTAGCAGCTTGAAAATATGTATCATTGATCTAATAGGATAGATGGGTTTCA  
AATAATAATATTCTTCTCACCTCACTTCAGCCTCAATTTAGAAAACAAATGCTTGTTGAATTTCAAGTGCTTTT  
GTTGTGGTGGATTTTATATTTGAAGGCATCTATAAACTTTTCTTTATTTTTCATCCATTTCTACCATTACTAAAT  
AAAAACCTCTTTTTTGTCTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_748 AJ011589|*Pisum sativum* mRNA for bifunctional 5,10-methylene- tetrahydrofolate dehydrogenase and 5,10-methenyltetrahydrofolate cyclohydrolase protein

ACACAAAATTGCACACGGACGTACCCATTTCTCGCCAAACACAATCAGACCGCCCAAATCCAAGCCCATCGGA  
TTTCTCTCCACCGATTCCATGGCTGCATCAACTACTGACTACACAATCAATCCTTCTCAATCTCACCTCGTCTAT  
TACATCGTTCTCTGAGCCATTACCTCTGGCAGCTGCAAATTCAAATTCAGAAGTAATAACCATTTTCGTTTTCTAA  
CTTGCAAAAATGGCGTCCGAATCCGACCACAAAGCTACAATAATCGACGGCAAAAAGATCGCACAAACTGTCA  
GATCTGAAGTCGCGGAGGAAGTGAACAACTCTCTGAGAAATATGGAAAGGTTCCAGGACTGGCGGTGGTG  
ATTGTGGGGAATAGAAAGGATTGCTTACCTATGTAAATATGAAGAGGAAGGCTTGCCTGGAAGTCGGGATC  
AAGTCTTTTGAGATTGATCTTCTGAGCAAGTGTCTGAGGCTGAATTGATCAGCAAAGTCCATGAGCTTAATG  
CCAATCCTGAAGTACATGGGATATTGGTTCAGCTTCCTTTGCCGAACCACATAAATGAAGAGAAAGTTCTATCT  
GAAATTAGCATTGAGAAGGATGTAGATGGCTTTCATCCTCTGAACATTGGGAAGCTTGCAATGAAAGGCAGA  
GATCCCTTGTTCTACCTTGCACTCCGAAGGGGTGTCTTGAAGTGTCTGCGCAAGTGAATTAGCATCAGAG  
GAAAGAAAGCAGTTGTTATGGGGCGAAGCAACATTGTTGGATTACCAGTTTCATTGTTGCTTCTTAAAGCAGA  
TGCAACTGTCACAATCGTCCATTACGTTCCGTTGATCCAGAAAGTGTATCCGCGAAGCAGACATTATAATTG  
CTGCAGCAGGACAGGCACAAATGATCAAGGGGAGTTGGATTAAACCAGGTGCTGCAGTCATCGATGTCGGTA  
CAAATGCAGTTGATGATCCAACCAAGAAGTCGGGCTACCGGCTGGTCGGGGATGTAGATTTCCAGGAAGCTT  
GTAAAGTAGCTGGTTGGATAACTCCGGTTCGGGTGGCGTAGGTCCTATGACTGTTGCCATGCTGCTTAGGAA  
TACTTTGGATGGGGCTAAGCGTGCATCGAGCAGTGAAAAAGACACCGCAGCTTGTTACCGATCCTCGTGGG  
ACTTTTTCGGAGTAATTTCAAATAAATGGTTCGTTGTTTTGTGCTATCTTTTTTTTGTACTAATAATAGTTGAT  
TTTTCATTGAAAATAATGGATTAATTAATAATCAAATCAAAACACACCCCAATGTTGAAAAAT

>trans\_c\_749 BT015820|*Arabidopsis thaliana* At3g57420 gene, complete cds

CTTGAGGTTGATATTACATCTTTCATGGAAGTTGATGTGATCATTAGTGTTCTTTGAATATGATAACCTTGAAA  
ATTTACCTCATTTTAGCTTGACGTTCCAAGTTCAGAAATAGGCTTTTAGATTGCATTCAATTTACGATGACAAA  
AAAATGATCTTAATTCATGGTTAAAGTTGTCGGTGCCATTGTTCTTTTACTTGGTTGGAATTGTTTATATTGAGA  
TAAGTTTTTATTGCCAATTACAAAATTTCAATCGAGAATCATCGCTACACAGATTTACAATTATTATTGTTGAAA  
ACTTGGAATATTGGCAGTCATAGAATGAGAATGCGTTTTGTATCAATCTGCATTCTCGAGTAGTCTTCTGTTAG  
CTTCTCGCTCCAGTTGATTAAGCTTCAAATTAGTATCTTCTAAATATGTTGTAAATATATTCATAGGTACCTCC  
CCAAAGTTTTCGACACATACAGTGGTGCAGAAGGGTTTTTATTCCTCCAAGACGATACAATTCTTAACTACTGG  
AATTTGCTACAGGCTGACAAATCGAACTCTGGATAACTGATAAGGTATCTAAGTCTTGGACTACTGTCTCAGC  
TGAAAGCTCAGATTGTTTACGAAACAATCGAACATGGTAAAGAAGATAGTTAGCATGATGCCAGTTCATTTT  
CAAGTGAGTCATAAGCAATCTGTAGCAAGTGAAAACAGCCTCACGATATGCAGTTCGAGGTCTTTTACATTC  
CTCGACGCTTTGTTTCAGATTTTCTTGACCTTCACGGTTTGTAGGGTGATCTAGAAATTCATCACAAGGTTGCA  
ATTCCCTTGTTCTTTACGGCAATGGATTGAGTTCAAACTTCGATCCAGTATTGAGTACAATGAACTACAGAGA  
AAAACCACTTGCTACAAATCTTCAACTATTTATTCCGTTTCATGTTCTGCTGTTTCATCCATGGAATGTGTCAAG  
TGAACAAGATTTTATTAAGTTGGTCAGAATAATGGCAGAAGGTGATCCACTTCTAGCAGAGTTAGTTTGAGAG  
GATAAAAGAAAAAGGAAAAGAGACTTCGATTAATACTTGGGATTTGGGGGAAACCGTGTATACTAAGCAAA  
CTGTTATACCAAATGCTATTTTTCTTCTTTTTTGGTTGAGAGTGAAGGAAAATTCATTTGTTGACCATCCC  
CCCTCCCCACACTTTTTTGTAGAGTTTTGTGTGTTCTCACCATTGTTGTAAGAAAGAAATTCTATTCAACTAG  
TTCTTTTGTCCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_750 BT012167|*Arabidopsis thaliana* At5g26330 gene, complete cds

ATCACACTTCACTTCACATCCACAATTTCTTCTCATCTCTCTAATATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCCTCC  
CCTCCATGGGTTCTGTGAAGATGCCTTCCCCGTTCTTCTGGATCTCCACAATGGCGCTTTTTTAACTGTGCGTAG

CTGCTACCGTCCACCAAGTAGGCGACTCTCCGGTTGGACCACTCTCATCCCCGTCGATTATGCCAAATGGGCT  
TCTTCCCAAAAATTCCATGTCGGCGACTCTCTTCTGTTTAAATACAACAACACGTTCCACAATGTACTACAAGTG  
ACTCAAGAACAGTTCAAAGCTTGCAACTCATCTTCTCCGGCGGCGTCGTACAACCTCCGGCGCAGATTCCATCCC  
TTTGAAAAGACCTGGAACCTTCTATTTCCTCTGTGGCTTTCCAGGGCACTGTCAATTGGGGCAGAAAAGTGGAA  
GTCAAAGTTACTTCAGCTTCATCTCTCATTTACCTGCTCCCTACCAAGCCCAGGCCCAAGCCCAAGCCCAATG  
GGCGGCCCATCTGCATCTGCTCCACCCCAAGTGCTGCTTCTACTCCCTCCTCTACTTCTTCTCTATGCTTTGCC  
TCTCTTTGGAATTTGCTTTGTTGTACTTTGTGGTTGTTTGAATTTCAATGCTTCTTCCACTTGCTGTGTTGTTGT  
TCTAGCTTTATATAATTGTACTTTGAATGTTGGAGCAAGTTCTAAATGTTGTTGTTTCTTGTTTGTATCATCATGC  
TATGTATTTGCGACCTAATTTGCTTGTTGATGTTAAGTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCTAAAA  
AAATTAATCAACCCCATACCCGGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCTTTCCCCCATAGGGGTAAAAAAATGGG  
GCTCCCTGGGCCAATTTTTTTAAACCCAGGCGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAAATAAAACCCCTTTCCA  
AAAATTTCCCTTTTCCAAATGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCAATTTCCCTCCCCAAATTTGCCAC  
CCGAAAGGGAAAGGGAAACCCCTTTAAACCCCAATTAACGCGGGGTGGGGTTTGTTTTTCCCTTTTGGG  
CCCTTTACTTTGGCTACCCCCAAAAGCCCCCCCCCTTTTGGTTTTTTT

>trans\_c\_751 AY057521|Arabidopsis thaliana AT3g12300/F28J15\_117 mRNA, complete cds

ATAATCTATTATCTCGTTCATTCCACCGCACGTTCTCTCGCCAGAAACGCTGAACGCCGTCGAAACCGAAGCC  
TAACCACAGCCGCGCTACTCAATTCGTCTGTCAGCTCACGCGCACTCCAGATCTGAAGTTGCGGGCTTCGAATT  
TTGTTGTTCTTCGTCCCTTTTTCGACGACCAAACGGGAACCGCCGAGCAGCAGCCGCCGACTAACACTCACG  
CTACCTCGTGAAATCGTTCGCGCTACGGTTGGATATGAAGTTGTACCGGTCGGATCTCACGACTTGAACCCG  
AGTCCTGATAATACAAGACAAGACGCTTCTTATTGTGGCTACATTGCAGCCTGCGGCGTGTAGCTGCTGACTG  
TCTTAAATGTTCAAAAATACGTTTCAGTCCGGATTCTCTCTATATTATTAGTCTTGGGAGCAAACCTCTCCA  
GATATGGGATAAAGAAGTTTCTAATGGCCACATCAAACGCCCTCAAGATGAAGACATCCAATCAAACGTTCTT  
GAAATCGTTGGATCAAAAATTCAGGCGACTTATATAACATGCCAGCGGATCCAGCTTCTACACTAGGAATAA  
AATTGCCATTCTTGTTATAATCGTGAAGAATCTCAACAAATATTTTACTTTTGAGATTCAAGTTCTGGATGATA  
AGAATGTCAGAAGACGGTTTCGAGCTTCTAACTTTCAAGTGTGCTATCACTAGAGTTAAGCCATATATCTGCAC  
CATGCCTCTTAGGATGGACGAAGGTTGGAACCATATCCAGCTAAATCTGGCTGACTTTACTAGGAGAGCATAT  
GGGACGAACTATGTTGAGACATTGCGAGTTTCAGGTACATGCAAACCTGCCGCTGAGGAGGATTTATTTTGCTG  
ACCGCTTGACTCGGAGGAGGAGCTTCCACCAGAGTTTAAAGTTGTACCTCCCTACGCAGAGAGCTTGACAAGG  
TTTCTGGCGGTGCTTTTACATCTTGGTGAGCTTGAAGTTGTACTCTTTTCTAGAAGACTATCCTCATTATACA  
CCCAGACCGAATGAACTAATGACTATGAAGTATGTGTTGCATCTAAATTCCTATTGAACTTAGTGAAGTTGAG  
GACGTTTGACTCTGATTGCCCTGAACTTTTTGACACCGTAATGAAACCTGAACATGACTAATTTGTAATTATAT  
TTGTAGGCTTACTCTTATAGAATTTTGTGCTCTTCAGTTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_752 NM\_103136|Arabidopsis thaliana STT3B (staurosporin and temperature sensitive 3-  
like b); oligosaccharyl transferase (STT3B) mRNA, complete cds

ATGTATGGTCTCACTAGCATGTACTTTGCTGGAGTTATGGTAAGATTAATTCTTGTTGCTACACCTGCAGTATG  
TCTTATCAGTGCTATAGCTGTCTCTGCTACAATAAAGAACTTGACCCAATTATTGAGAGCTAAACCAAGGTTT  
CTCAGATTAGTTCTAGTAAAGGAGTCAGCAATGCGAAGAGTCTCTCTAAGGGATCTCTTGATCAATCCCAGCC  
TTTCCAAAAGAATGGTGCTATTGCATTACTCTTTGGTGCTTTTTACTTGCTTTCAAAGTATGCAACTCACTGTAC  
ATGGGTCACCTCAGAAGCTTATTCATCTCCATCAATTGTCTTGGCTGCACGGGGTGCTCATGGGAACAGGGTT



ATCTTTGATGACTACCGTGAGGCATACTTTTGGCTCAGACAGAATACTCCTCAAGATGCTAAGATAATGTCATG  
GTGGGATTATGGTTACCAGATCACAGCAATGGGAAACAGGACTGTCATTGTTGACAACAATACCTGGAATAAT  
ACCCACATTGCTACTGTTGGACGTGCTATGTCTTCTTATGAAGATGAGGCATATGAAATAATGAGATCACTTGA  
TGTTGATTATGTGCTAGTTGTCTTTGGTGGTGTGACCGGCTATTTCATCAGACGATATTAACAAATTTTTGTGGA  
TGGTGAGAATTGGAGGCGGTGTTTTCCCCGTAATTAAGAGCCCGATTATCTGGTGAATGGAGAGTACCGAG  
TCGACAAAGGAGCAGCTCCCAAGATGTTGAATTGTTAATGTACAAGCTTTCATATTATCGGTTTGGGGAGTT  
AGTAACAGAATATGGCAAGCCTCCTGGGTACGATCGTGCCAGAGGAGTTGAAATTGGCAACAAGGATATCAA  
ACTTGAGCACTTGGAAGAGGCATTCACCACATCTAATTGGATAGTTTCGTATTTATAGAGTCAAACCACCGAAT  
AACAGGTGGTGATTGCTCTTTTTCCCCGAACCCTCTTTGGAACGGCTACGAGTCAGATAGAACTCTGAGCAAG  
AGCGTCTTTGACATAGTGTTTATTCTAGGCAAAGAAAGTAACTGGAATTTTGCTTTACAACCTTGAGCTGTAG  
TATCGAATGCGTCAATATTTTGAAATCTTTTTCAGAGATTACGATGGATTCCTTTCTCTTTTTTTTTTTTCTAT  
GATTGGAAAAGGCAAGCTTTGAACGGTGTGAGTTTTGGTTGAATATACAGCATCAAATTAATTTGAATCTAT  
GAGAAAAAGCACCTCTACTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_753 AY104210|Zea mays PCO085619 mRNA sequence

CAGATATCTTTAAGAAATACTCTGGGAATTATTGCAAATAAAACAACCTGATGGCCCAATGGACGATTTAGCAA  
TTATGAAGGAGACGCTGCGAGTCAAGGATGAGGAACTACAGAATTTGGCTCGTGATCTACGTGCACGAGATT  
CAACAATAAATGATATAGCTGAAAAATTATCTGAGACAGCTGAAGCTGCCGAGGCTGCTGCTTCTGCAGCCCA  
TATGATGGATAAAACAAAGGAAAATCGTTTGTGCAGAAATTCACGTATAAAAGAAGATTCTGAGAAGCAACT  
GGATGCATCCATCTTGAAGCTCAAAGAGTACGAAGCAAAATTAATGGATATGAGTAGAGAAAGAGATCAGTT  
GATAAAACAAAGAGATGCTGCTAATCAGGAAGCACATATGTGGCGATCTGAGCTTGCAAAGCTAGAGAGCA  
GGCTGTGATTCTAGAAGGTGCTGTCGTGAGAGCGGAGGAAAAAATCAGGGTTTCAGAGGCTGATGCCGAAG  
CGAGGATAAAAGATGCTAAACAGAAAGAGTTGGCTGCTTTCAGGAGAAGCAGGAGCTTATGGCATATATAA  
ATAGGTTACAAGCACAAATTCAGAGACAACATATACAAGTTTTTGAGGAGAAGATGGAGTCTTGCCCAGGTA  
ATGATAATTCTCTGCTAACAAAGCACATGGACTCGTCAGATGATAATGTGGATAAAGCATGCTTGAGTGACTC  
TAGAGCAATACCAGTCTCTGGTGAGGTCAACCTACGACCGATTGGAGATGGGGAATGGAGTGATTCAGAC  
AACAGAAGCAAGAATTGCTGATGTTAGAGAAATTGCCGCAGAACTGAAGGAAGCAGTTTAGATATTACTGT  
TGTTAGCCAACCTGTCAGCAGCCATCATGAGCAAGATGTGAGCTCTTCCCAACCATAAATTCGACATCATACAG  
AACAAAAATGCATGTTAGATGTAAGCATAACAGTACACAGCACCTAGTTTAGATAAATGCAAACCTTGTTTTGC  
ATTCTTTTATGTGCGAGTAATATTCAAATTATTTGACTGGCTGACCTGACGTTGGTGATGTGGTGACATTTCTC  
GAGGTTAGACGCTAAAGTCTTAACAGAACGTGTTCTGTTGTGTGAGCCATTTATCGATGATTTATACTTTGTG  
TAGAGAGTCGGGAGTTGTAAATCTAGGGAACAAAAACCATCGATGATGAGTGTTTTTCTATAAACATTCAGC  
GCTCCTGCTCTGGTGTATTATAAAATCTCTTCCCCTCAGTGTACTCGCTAGGATGGTCTCTGAACCTT

>trans\_c\_754 AJ507733|Solenostemon scutellarioides mRNA for hydroxyphenylpyruvate  
reductase (hpr gene)

TTTACGCGCGTCGTCGAATCTTCCTCTTTTCTCCACATTCGTTGTCATCTACATTCAACTCCATCTCCTCCGAAA  
CCCTAAATTTTCAGCCCATGGAATCCATCGGTGTAAGTACTGATGACTTGTCCGATGAACGCTTACCTTGAGCAGGAG  
CTCGATAAGCGCTTCAATCTTTACAAGTTCTGGCAATTTCTCAGAGGACGCAATTCCTCACCGAGCATTGCAA  
TTCGATTCTGCTGTTGTTGGGAATGCATCAGCTGGTGTGATGCCACTTTGATTGATGCCTTGCCCAAGTTGG  
AGATTGTCTCCAGCTTCAGTGTGGGATTGGATAAGATTGATCTCAAGAAGTGCAAGGAGAAGGGGATTTCGGG  
TCACTAATACTCCTGATGTTTTAACTGAAGACGTTGCGGATTTGGCTATTGGGTTGATTATAGCGGTGCTGAG  
GAGGTTGTGTGAATGTGATAGATATATCAGGAGCGGGAAGTGGAAGATTGGTAACTACAAATTGACTACCAA  
GTTCTCTGGAATCAGTTGGCATTATTGGTTTGGGAAGGATTGGCTTAGCAATTGCCAAAGAGCTGAAGCA

TTCAACTGTCCAATATCTTATCACTCAAGAACAAAAAGGAAGACTCCAAGTACAAGTACTACTCAAACCTTCT  
CGAGTTGGCCTCCAACTCTGATATTCTGATCATTGCTTGCGCGCTAACTAAAGAAACCCACCACATCGTTAATC  
GAGAAGTTATCGATGCATTGGGTCCAAAAGGTGTTCTCATCAACATTGGGAGGGGTTCTCACGTCGATGAACC  
TGAATTAGTAGCTGCCCTGGTTGAAAGCCGATTAGGCGGTGCAGGACTTGATGTGTTTGAAAATGAGCCTGA  
AGTCCCCCAAGAGCTGTTTGCACTCGAAAATGTTGTCTGGTGCCGCATATAGGAAGTGGAACCGTTGAAACT  
CGCAAAGAAATGGCTGACCTTGTTCTTGGAACCTGGAATCTCACTTCTCCAATAAACCTCTCTTAACTCCGGT  
GGTATAGTTTTGTTATTGAAACAAATATTAGCCTAATGCTGTTGCCTGGAGAATTCTATGGCATCCGCATCCAG  
TAACCATCAGACAAACACCTCGAGTGAACGATTCAATTCGATGATTACTACCTGGTGATGTTCATAATTTGAAT  
CTTCTAAGATTATTGCTTTCAGCCCTTATCTGTCGATATGATATGTGATGATATCTGAAGAAACGTTATTGGGC  
GCAATGCTATATGTGATATTTGTTTGGCGAAAAA

>trans\_c\_755 Y10252|L.japonicus panC gene

ATTTTATCAAATTTTCCATTTTATGATCCACCGTTTCTTTCAACCTTCACTTTCGTTCTCCAATGGCGAGGAAGGA  
GAATCAGACTCTCATAATTACAGACAAAAACCAGATGAGGACATGGGCGAAATCGATGAGATCTTTACTCAAT  
ACCATCGCCCTCGTTCCACCATGGGTTCCTTACGACGGCCATCTTCTCTAATCCAAGAAGCTCGCAACCAT  
TCACATCTCGTCGTCGTCCTATCTACGTAAACCCTAGCCAATTTGCCCTTCCGAGGATCTCTCAACCTATCCTT  
CAGATTTTCGACGGCGACATTCCGAAGCTCAATGCTGTTCTGGAGGAGTTGATGTCGTTTTCCATCCTCACAAT  
CTCTACGACTATGGAGTTGAATCAGCTACGGATTGTGCTGGAATGGCCGACGTTTCTTGCTTGAGGAATCCG  
GTTCAAGCCATGAGACATGGGTGAGGGTTGAGCGTTTGAGAAAGGGCATGTGCGGGAGAAGTAGGCCTGTT  
TTCTTTAGAGGGGTTGCTACCGTTGTTGCTAAGTTATTCAATATTGTGGACCCTGATGTTGCCTTGTTTGGGAA  
GAAGGATTATCAGCAATGGCGAATTATCAGGCGGATGGTTCGAGATCTTGATTTTCTATAAACATTTTGGGG  
TTTGAAACCGTGCGTGATGCTGATGGTCTTGCAATGAGTTCTCGCAATGTGCGGCTCTCACCTGAAGAAAGAC  
AAAAGGCATTGTCTATAAACAGATCATTGTCAAAGCAAAATCTGCAGCAGAACGAGGTGAACTCAATTGCAA  
AAGATTAAAAAACTTGGTTGTCGATGAAATACAAGAAGCTGGCGGAGAACTTGATTATGCTGAGATTGTGGA  
ACAAGAGAGTTTAGAGGTGGTGGAGGAGATCAAGAGCCCAGTTGTGATCTTGATTGCAGCTTGTTTTGGCAA  
AGTCAGGCTCATAGACAACATTGAAATAAACATTTGAGTATTTACCCTTTTCTTCCATTTTCTTTAAGCCTTTG  
AAAGCATTGCACATCTAGGGCTGGAGTTAAAACCATTTTTGTCTATGAGGATTTTGAAAATTGACAAAAGTGA  
TTTTAACCTTTAGAAATTATTCGAAATGTCTTTTACTTGTTGTCTTACGTAGGATTGATAACGGAGAGGGG  
TAAACTCCTTTTATTTGTACTAGAATAACTTAAATTAAAGATTCCAATGGAGATGAAAAAATAAAGAGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_756 EU494946|Actinidia eriantha xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 1 mRNA,  
complete cds

AACCCCAATACAATATTCATTTCTGTTCTGTTGAGCATGTGATCTCCTTAACAAAACCAGCAAGTAGAATAGTTT  
AGATCTAAATCCTAATGAATCATAAAGCCATTTTAAAAGAATAGAGGAAAAGTTCAATGATTGTGAAAATAA  
CCGGTCATGTTCTTGAAGACAGTCCCATTTGTGTGGCAGCCTGGACGCACCTCCCTGTTCCCTAAGCTTTATTTT  
ACTAAGCTGCGTCAATTCCTCCTGATTTCCATTAATACCCATGTCGGCTTTGGTTCTACCTCCTTTGTTGTAAGC  
TTCTTTTGACATTTTGGTCAAATAACTTTCTCCTCAGACCAACCAAAGTTCAACGGACCAAACTTCCCTGCTG  
TGGAATACTACATCATTAAATTCGTTGAAATTACAAGTGAATGCATTGTAGCTTATATGGGTCTACA  
AAAGCTTGCCATTTCTTACAGTTCAATTATCAGATGTAAACCCAGATCAATGATTCAATTATTTAGTGCTCAT  
TTCTTGTTGAGAAAGTCCATTTCTGATTTCTCTCAGCTTCAGGAGTCTCTGTTCAAGATGGAGATGAAGAGG  
ATTTCTCCAATACGCTTCCTGTTTTCATAGCTGCGATCTTGGTTGCTTCTCCTCTTCTTCTCATCTGCAGATG  
ATACTAAAGCAACTTTTGAGATATGTTGAAATGTCTTGCCCTGATGACCATTTTAAACCTCAGACGACGGC  
CAGATCTGGCATTGTCTTTGGACAAAGAAGCAGGTTGTGGGTTTCAAACAAAGGAGCGATATAGATTTGGTT

GGTTCAGCATGAAACTGAAGTTGGTCGGAGGTGACTCTGCCGGTGTGTGCACAGCATATTATATGTGCACTGA  
GAATGGAGCTGGACCAGAGAGAGATGAGCTAGACTTTGAGTTCTTGGGAATAGAAGCGGGCAGCCATATC  
TGATTGAGACAAATGTTTACAAGAACGGGACTGGGAACCGTGAGATGAGGCACATGCTGTGGTTGACCCCCA  
CAAAAGACTTCCATACTTATTCCATTCTCTGGAATGACCACAGGATCGTGTTTTATGTGGACAGAGTACCAATA  
AGAGTATACATGAATTCAGATAAACCGAACAACTTCTCCCTAACGAAGAGCCCATGTACCTGTTCTCGAGCAT  
TTGGAACGCAGACGATTGAGCTACAAGAGGAGGACTGGAGAAGACGAACTGAACTAAGGCGCTATCTGTAT  
CCACATACAAGGACTTTCACGTAGATGCTGTACATGGGAAGACCCATAT

>trans\_c\_757 NM\_111006|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein  
(AT3G01400) mRNA, complete cds

ATTCCCTTATTGGATACTGGAATTCCATTTTTTTTCCAATTTTGATTTCTTCTCTTTCTTCTGTTTTGATTTCTGTG  
TCTTCTTATCTGTCTCGGTTTTTTTCTTTCCCTTTTATGTGTTAGAGAAATTCAGAGAGCTAAAGGGGGGATTTT  
GTTCTAATTTTCGGAGATGGGGACAGAGAAATCCCATGAATTTTACGTACATGGGGAGAAAGCTTTGATGATCTCA  
GCAACGGGGATAGTTCTGGGGCCTTTAGGGACTGTAATAGCGATAGATCCGGGGAGTTTCCGACGGGGTCTGT  
CGCAAAGTCGGCGGCTTTTGATTGCTTGTGCTTCTGATAACTCCGACGAGTTAATTCGGCATCTGTTTTGGAC  
CTTGAGTCCTGTTTCGATTGAGGAGCAGAAACAGGCGGCTATGGAGATCAGACTTCTAGCCAAGAACAAACCA  
GAGAATCGATTGAAGATCGCTAAAGCCGGTGCAGTTAGACCGTTGATTTCTGCTGATATCGTGACGGATCCTC  
AGCTACAAGAGTACGGCGTGACGGCGATTTTGAATCTCTCGCTTCGCGACGAGAATAAGGAGTTGATAGCGG  
CGTCTGGTGCGATTAAGCCTCTTGTGAGAGCTCTCATGTCCGGAACCTCAACGGCGAAGGAGAACGCGGCTT  
GTGCTTTACTGCGGCTTTTCGCAATGGAAGAGAACAAGATAGCAATCGGACGGTCGGGAGCGATTCCACTTC  
TGGTGAATCTGTTGGAGAGCGGCGGGTTTTCGGGGAAAGAAGGACGCGTCGACGGCACTGTATTGTTATGCT  
CGGTTAAAGAGAACAAAATCAGAGCGGTGAAAGCGGGAATCATGAGACCGCTGGTGGAATTAATGGCGGAT  
TTTGGGTCAAACATGGTGGACAAGTCGGCGTTTCGTGTTAAGCGTGTTGGTATCGATGCCGGAAGCCAGGACG  
GCTCTGGTGGAAGAAGGCGGAATTCGGTACTAGTGGAATTAGTGAGGACGGAACACAGCGGCAAAAGGA  
AATCGCGGCGGTGATTTTGCTGCAGATTTGCGAGGATAGTGTCTTTACCGTACAATGGTGGCTCGTGAAGGA  
GCAATTCGCCGCTAGTCGTTTGCTCAATCCGGCACTAATCGCGCCAAACAAAAGGCGGAGAAATTGATAG  
AGCTTCTACGGCAACCAAGATCCGGCAACTACGCTGCCACCACCTCAGATGTGTCACTAATTTTTTTGTTCCGG  
CCACGTGGACGATCCACCCCCCGCACACAAGACATCTNCATTACACCCCAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_758 NM\_001069214|Oryza sativa Japonica Group Os09g0250700 (Os09g0250700)  
mRNA, complete cds

ACACCAAAGATGCCACCACAAAATGGCTCGTAAGAAAGCACAGATTCATAGCTGTCCACGACGCTCCAATTT  
CCCAATCAAACAACATCTTCTTACGTTTTTTGTGTTCTCTGCAATGGGTCAATTCGCTTTAAACCATAGCACT  
ATACTTAGATGGCGGCAACATTGGCTTCCACAGCTGTTATTGCCGCAAAACAAAGTTAAATGAGGGGAAAG  
GGAAACAAGCCTATGATCTGTCTTTTCAAGATCAATTTCACTTCATACATTCAACAAGATTGAGAAGTCAACT  
TGGAGTCTCCAAGTTCTCAACATTTTCAGGCTTCAAAATGAAATGCAGCAGAATACATCGCCCCCTAGGTTTTAA  
TACTATGGGAAGAACTGTTAAGATGGTACCCATAAATGAAATAGTGAAAAAGAGAGCTGTATCTGCCAACAA  
ACTTGAGAACATAAATGGTAAAAAGCAAGTTATCAATGGGACAAGTATAGTTAAGCGCAGCCCGTCTCCACCT  
TTGGTTAAGGGAACAAATGTTGCAGACTCAAAGAAGCTCCACCAATTGAGGATCTTAAGGTTTTACCTCAG  
ATGAAGGTTTCAGTTGGGCTAATGAAAATTATACTCTGTGCAAAGGAGCATTGATGTCTGGAGTTTTGTCTAT  
TTCCTTACGAGTCCGAGTTTTCTTAGAAACTACAAAATGGACATATGCTGGAGTTTTTTCAGAAGATAAGCAG  
AAGAAAAGAAGGCTAAAGACTGCATCTTGGTTGCGGGAGCTGCGCTGCAGCTTGGCCCTACTTTTATTAAGCT  
TGGACAGCTCTCCTCAACTAGGTGAGTCTGTTCCCTCGTGAGTATGTGGATGAGCTTGCTAAATTACAGGATA  
AAGTCCCTGCTTTCTCTCCAGAGAAAGCAAGAGCATTATTGAGAGTGAAGTGGCGTCCCCATTGATACATT

G TTCAGAGAATTTGAGGACCATCCTATTGCTGCTGCAAGTCTTGGTCAGGTCCATCGTGCAATACTCCATAATG  
GGGAAAAGGTGGTCGTCAAAGTCCAAAGGCCTGGTCTCAAGAAGCTTTTCGACATTGATCTACGGAATTTGA  
AGTTGATTGCAGAATATTTTCAAAACAGTGAAACTTTTGGTGGTCCTACCAAAGATTGGATTGGTATATATGAA  
GAATGCGCTACGATTTTGTATCAAGAAATTGACTACATAAATGAAGGCCAAAATGCTGATAGATTTTCGAGGG  
ATTTTCGTAATATAAAGTGGGTCCGAGTACCTCTTGTCTTTTGGGACTACACTGCT

>trans\_c\_759 NM\_202056|Arabidopsis thaliana leucine zipper factor-related (AT1G07840) mRNA,  
complete cds

ATATCTCACCTGTCTATCGTGCACTTCGTCCAACCTCCAGCTGCCGTTTAGCCGCTCATCGGTCTGTACGAAGCCT  
CGCCGATCCCGCTGCCAGTGTCTGCACTGCCGCCAGTTGCTGCTGGCCCCGTTTTTTCGGTTGCTTATCTGT  
GGACTGAGTTACTCAAAGCCCAAACAGTTACTTCACGTAATAAAAGACGGAGTGCAGTGTAGAAATTTAGCA  
TTTAAATTCCTGCGATGGAGGAAGTGAAGAACAAAGAAGCTTCTCAACTAACTGCATTGCTAAAGGAAATGAA  
AGAAGGACTGGACACGGTCACTAATAAAGTCCAGGCTTTAACGGCAAAGGTAAAATCAAACCAGCTTCCGAC  
ATCAGATGGGATAAGCTATCTTGATGCCAAATATCTTTTACTTCTAAATTATTGTTCTTCACTTGTATACTATTTG  
CTCCGCAAAGCCAAGGGTTTCTCAATCGAGGGTCATCCTGTCGTCAGGAGTCTTGTAGAGATAAGGTTATTTT  
TAGAGAAGATTCGACCTATTGATAAGAAGCTTGAGTACCAGATTCAGAAGCTAACAAAAGTTTCTGTTGTGTC  
AAAAGAGAATGCATTCATGGACGAAAAGGATTCTGCTACACCTCAGGATGTGGATGATCGATTAATAATATCGT  
CCAAACCTGACATGCTTGTCACTAAAACAGAAGGGACTGCTGAGGATGGAGATGGTATATATCGTCCACCA  
AAGTTTGCCCTACTTCTATGGAAGAAGATAAGAAGTCTCGAAAGGAAAGAAATTCCATGAGAAAGGATTTAC  
AGACACTCCGACAAGCTAGACAAAGTGATTATATGAGGGAGCTGATGGATGACATGGCTGGAAAACCTGAAG  
AGATTAAAGAATCCGCTGGACTGGAAAATAGAGAAGTTGCTAGATATGTGGCAAGAATGGAGGAACGTGAC  
CGAAGAGAAGAGGAGCTTTTCACTCGTGACCGCTCACAAAGATGGAGAAAAAGAGAGAAAAATACCTAAA  
GAAGTCTAGATATGGGATGGGTGGTGTAACTGATAGTTTCTATGAAGAAGTGAAATCCTTGCCCTTGGAAGG  
TGCTGATGATGAGCAACCGACAGATTTTGGTAGTGGTAGCGGCAGAATGAGAAAGCATAAGAAACGCAAGG  
GTAGGCATTGAAGACCATGTCATATCANGATGATGGGAAATACTTCGGGACAAAATTGTATGTCAATGTGAA  
AATCCCTATATCTTTGGGTGAAATTTACTATACTCTTAAGAAGGTCTTTTATTCCTATGAAAGTT

>trans\_c\_760 AY101531|Arabidopsis thaliana At1g22850/F29G20\_19 mRNA, complete cds

ATCGGCTTTCACACAATTTCTTCTCTTCCCTTCTTCTCTTTTTCTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTT  
TGGTTTATAATGCGAGTCCTTCTGACCTTAAGGCCGCCATCTTCAAACCCACCGCCATGTCTTTCTTCTCAAT  
TTCTCTCCTCCGCTTTCCTCTTCTTCTTCTTCAAGTTTCAAACCCAACAAGCGCTTCCACTTCTCAAGCCTTGTC  
CTCTCTAAAGCAATCCAAGAAACCTACCCTTCAAAAAACACCCACTAGCGCCCCTCAAAGCTTTAAGTGGCCTT  
TTAGCCCCAAGTCCAACGATGACGATGCCGGTGATAAAGGGAATAAAGGTGCGGACGGAGATGGAGCCGTT  
TTGGAAGATGACTCTGCGGTTAAGGGCACCATTTTGGCTGGTGTGTTGCTTGTGGGGTTATTGGTGGATTTG  
CATTTGCTGGATATGTCTATAGGGATCCGATTAACGCCTTCTTGAATCAGTTCTCGACGTTTATTGATGGATAT  
GGTCCAGCAGGATATGCTTTATTTGTAGCAGTATATGCAGGACTGGAGATCCTTGCAATCCCGCCATTCCATT  
AACAATGTCAGCTGGACTCCTCTTTGGTTCTGTAATTGGGACAGTTATAGTTTCCATCAGTGGAACGGTTGCTG  
CTAGTGTTGCCTTTTTGATTGCTCGGTATTTTGTCTGTCGAGCGTATTCTTAAGCTAGTAGAAGGAAACAAGAAA  
TTTGCTGCCATTGACAAAGCCATTGGAGAAAATGGTTTCAAAGTTGTTACCTCCTACGTTTGAGCCCACTGCT  
TCCATTTTCTCTCGAAATTATTTATATGGACTCACATCTGTCAAATTTGTCCCCTATGTGTTGGGAAGCTGGCT  
TGGGATGCTTCCAGGAACATGGGCATATGTGAGTGCAGGTGCCTTTGGACGCGCAATTATTCAAGAAGAGTC  
TGAAGTTGGTTTGCTTGGAGGGGGAAATGGTCAGCTATGGACTTTAGGATTGGGATTGTTGGCAACAGCATT  
GGCTGCTGCACACGTTACACGATTAGCCAAGGATGCTATGAAGGATATTGAATAGGCATGGCACCTTGCTGA  
ATGTAGGAGGTATAAATTAATTCATAAATTGAATTTTGAAACTGGCAAATGCTCTGTATATTTTTTGTGTTGA

CCAATTCAGAGAGACTTCAACCAGTTGCTGATAATGTATAATGTTTACATTAATAATCAATATAATTAATCTCTA  
ATTGTAATTTAAACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_761 D14699|Ipomoea batatas mRNA for F1-ATPase gamma subunit, complete cds

GGTCTCAAAACTGAGTGAGAAGCGTTTGAGCTGGGCTCGCAGCTATTGAAAAAGAGAGAACAACCCCTTTCG  
TCGCTCTTATTTCTTCCTTTGATCTGAAATTTCTGTTCCGATCTCGCTTTAGGACGCAATGGCCATGGCAGCT  
CTCAGACGTGAAGGGAGGCGGCTCACTACTGTGATCTCCCCTCAACCAATCACCGCTCTTCGGTCTTCCCTCCT  
TTACGAGGAACAAGCTCCTCTTGGTGTACGCTCCATCTCCACTCAAGTGGTTAGAACTCGAATGAAGAGTGTG  
AAGAATATCCAGAAAATTACAAAGGCCATGAAGATGGTTGCAGCCTCTAAGCTGCGAGCAATCAAGTGCCT  
GCTGAAAATTCTCGTGGCCTTTGGCAACCATTACTGCGCTTCTTGGGGATAATCCAAGTGTGATGTAAAGAA  
GAATGTCATTGTTACCGTTTCTTCTGACAAGGGTCTTTGTGGTGGAATCAATTCTACCTCAGTCAAGATAAGCA  
GGGCTCTGCACAAATTAAGTTCTGGTCTGAAAAGGAAACAAATATGTTGTATTGGGAGAGAAGGCAAAGG  
CTCAGTTGGTTTCGTGACTCCAAAAAGGACATATCAATCATCTTCACTGAGCTGCAGAAGAATCCTTTGAATTAT  
ACCCAGGTCTCTGTCTTAGCTGATGATATTCTAAAGAACGTAGAATATGATGCTCTGAGGGTTGTTTCAACAA  
GTTCCAGTCGGTTGTCTCATTTCTTCTACAACATCTACCATCCTATCTCCGAGGTTGTTGAAAGAGAGGCAG  
AATCTGGGGGAAAGCTTGGTGACCTGGACTCTATGAGATTGAAGGCGGTGAGACAAAGGCTGAGATTCTCC  
AAAATCTAGCAGAGTTCCAGTTTTCTGTGTACTGTTCAACGCCGTTTGGAAAATGCTTGCAGTGAACAAGGT  
GCAAGGATGTCTGCAATGGACAGCTCAAGCAGAAACGCCGGGGATATGCTTGATCGCCTCACATTAACTATA  
ACAGAACCCGGCAAGCGTCTATCACCAACGAGTTGATTGAAATTATATCTGGAGCTTCGGCATTGGAGGGCTA  
GTTGCCAGATCTTCTGCCGTTTACACAATGTTTGTGAATAAGATCACGAGGCTATATTGATAATGACGAT  
GTTGCCCTTCTGAGCTTTTTTGTAAATAACCCAGTTTCAATTCTATCCTGGGAATATGTTTGTGTTAGATATC  
AATTGATTTTCAGATTGCTTCATCCTTTTCCAACCAAAGCCCCAATTGCTT

>trans\_c\_762 NM\_001062023|Oryza sativa Japonica Group Os05g0401300 (Os05g0401300)  
mRNA, complete cds

TGGATATGAAAGCTATCCTCATTTCCCTATGGTCATTCTCTTTCTTTATGCCTCCACCACCCTCCAAACCCTCAC  
CAAAACCCACGTCGCGCTCCCTCCGCCACCACCGTCTGCTTCCGGCGTCTTCTACTTTGAATTCCCAATCC  
AAGAGGCATTTATCCTCAAAACAGCTTCACTCTGTCTAATTTCTTTCTTTCCAAAATGCCAGTTGTTCAATCTT  
CTGAAAATTCTCCAACCTCGAAACCTGGCCTTCTGCTATAGCAAACACCAAATCTTGGTTTCAGTTCTATGGC  
GATGGGTTTTTCATTGCGGTGCCTCCTCAGTTTGAAGACCTCACGGGGCCTGAGGACTATAGTCTGGACTCT  
CTCTTTATGGAGATAAGGCCAAAACAAAACCTTTGCAGCACGGTTCGGGTCTCCTGATGGCTCTGAAGTTCT  
AAGTGTGTCACTCGTCCGACGAATCACTTAAGATCACCTTTCTAGAGGCGAAAGACATAACTGATATAGGT  
TCCTTGAGGGAGGCTGCAAAAATCTTTGTTCCAGATTACATCTCATCTAGCTGATTTTAGTGTTCTGACAATG  
ATAGGCGGTTCACTTTATTTCTGCCCGAACGTTTAAATTAAGGAAGATAAAGGCTTCAGAACTTATTACTT  
CTACGAGTTTGGGAAGAACGAACAACATGTTGCATTAGTAGCAACTGTTAATAGTGGACAGGTGTTTGTGCT  
GGAGCAACTGCACCATTTGTCAAATGGGATGAAGATGGCATAAACTCCGTTCTGCTGCCATATCTTTAACAG  
TGTTATAATCAATTGTTGATAAATTTCAATTCATTAGCTTGAGGAAGCTTGGTGAGTTTTCTATTTAGCAACGAG  
ACAACTCTAGCTGAAGATAAAATTTAGATTTTGTATAGAATTTCCACACTTTTTTTTTTTTTTGGTGGTGGTTG  
TAAGAATTGTCTTTGTAGTGGCTCTGCTGAGTGGTACTTGGTTCAAGTGGTTTTTCATTTCTAATTCCCTTG  
TTTTTATATGGTTTTATCAAATAAACTGAGATTATTGGAAGTGGCAGCTGGTCTCAATGGGACTACCACA  
CATTGAACGCATGGTTCAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
GGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTATTAACCCGCCAACCCCGG

>trans\_c\_763 Novel Gene

GGTCCGCAGGGCGTCCCCTACAGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGT  
CCGAGCACTGGAATGAGAAAGGCTTGTAGACTCGTGAGGCTGAACGAGACATTCGAAAACGAAAGCGCACA  
CTCTCAAGTGCTGAGAAAGGTGTCAGCAGGTGCGCGGAGCCGGAGCCCGCTCGCCCGCTGGGCCGAGTCA  
AAGCCCACTTCAGAGTCAAAGCCTTTAGATAACAAAAAAGGTGTCCGCCCCCAGTAGCGGTGCGCAAACG  
GAGACGAGAGTTTCGCCTTTCCATAATATTGACTATACGAAATAGTTGGACCAGGCCGAGTCAGAAAGGCTTT  
GATGACTCAAGGTGAATCCACGGAGCGGGAAAGGAGAGTGAGGGGAAGAGGGGGCTGCCCTCGGCCCCGA  
TCATCCTATTCGCTCCAACAGACAGGCATGGTTCTGTAGTCAAAGCTACTTCGTCACTTTCTGTGTACCCATCGG  
ACGGCAGCCCTTTCGGGGGTTCTTAGGGACCGATTCACTCTGCGTAGATTGACTGAACGCAGAAAGCCTTCC  
ACTGGCAGGCGATCGTGTTTTTACAGGATTTCTCGTTACTCATGTGAGCATTCTCACTTCTGATATCTCCAGGT  
CTTGTCACCAAAACCTTCCCCGATTGACAGAACGTCCCGCTACTGACACTTGAAAAAGCTGCTTTCAAGGTCT  
CGTCGTTTCGGTGAATCACTTGAGCCCCGAGACATTGTGCGTGCCATGGAGCTAGACCAGTGAGCTATTACGC  
TTTCTTCAAAGGATGGCTGCTTCCAAGCCACCTCCTGGTTGTCATCGCTCGAGAACTTCCTTTTCCACTAAGTG  
ATTGCTTAGGGACCTTAGCGTACGATCTGGGCTGTTTCCCTCTCGACTTTGGATCTTAGCACCCCAAAAGTCTG  
TCTGTACAAACGATCTAGGCCTGTATTTCGGAGTTTCCCTGGGGTTGGTAAGGCGAAATGGGGCCACCCTAGCC  
CATTGAGTGCTCTACCTCGGGCCATCGACATCATACGCTCTACTGAAATAGATTTGCGGAAAACCAGCTATAT  
CCGATCTTGTTGGCTTTTACCCCTAGCCACAAGTCATCCCCGTATTTTGCCACATACGTGGGTTTCGGTCTCTCC  
AAGGCCTGTTAGAGCTCTCTTCAACCTGCTCATGGCTAGATCGATCGGTTTCGGGTCAAATAGGAAGAACGAG  
AATCTTTCAAATACGAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCACTACTCCGATCCCG

>trans\_c\_764 XM\_002870675|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

TTTAAGCGGGCCGGCCGATGCCCCCTTCTCTCGTTCTCCCGTTGTCTTCTCGTTTCGATCCACTCCGAAAGACA  
CCCAATCTGGTTCGGCTCTTACCAAGTGGCTTTCAGCTCCAACTCTCTCCTATAGACTTTCCTTTTATCCCCCTC  
TTTCCCACTTTTAACTTCACTTACCGATTTAGGTCTCTCTATTCTTCCATTTCTTAATCACCCCATCTTTTTAAAA  
CCCCCACTTTTCTCAAATTTCTCTTTTTTGTCTCTTTTACCTCGTTCTCGCATTTTTATAGCTTCTTAATCATCT  
GGGTCTTTTGATTTCTTCTGGGTATTACTGTTTTTCTTCTGTTTTCTTTGTCTTGTATTCTAGGGTTTTAAATTT  
CCCATTTATACACCTCTGATCTTCTTGTAAATTGGAAATTGGAAATTTGGTTTCTGGGCTTTGTTTGTCTC  
TAATTTACTTTGAGGATTTTGAAGTCTAAGGCGATGTCACAAGGGTTTGGCATCGAGCTTATTTTCGATCCAGC  
ACTTGAAAACCAAGTTCTCAAGGCTTGAATGTACTAGCTCGCCGTCAAATTAGTACCCAACCTCATCGAAATTG  
AGTCACGTCTCACATTACCCTTTTCTTACCCCGTTTCTCGAACCACAAAAAGTTGAATCCATCGTTAAAAATT  
TCGCTTCTAAACAGGAACCTTTGGCTTTGTCTTTATCGTCAATTGGCAGCCTTCCCAGTGACAACAACATTCTCT  
TCCTCGGTCCAGCACCTTCGATTTCACTTCTTCAATTCAGTCCCAATTGTGTGAAGCAATGAGGAAAGAAGGA  
ATTGAAATTGGTGAGGAATATCGCCTTGGTTCGTGGATTCCCCATTGCGCTGTTGCTCAGGAGGTGCCTAAGG  
CTCGAATGGCTGAGGCATTTTGTGTTCTAAGGGATTTGAAGCTACCAGTTTCCGGGTATGCAATTGATATTGG  
GTTGGTGGAATTTCCCTGTTTCGGGAGCTGTTCTTTTTGTTCTTGGTAACACTGTGCAAGCTTGAAGCTTTG  
ACGCCATTGTTGTGCTTTAATCTCATAGTTCTTCTCTATGAACTTGATAACCTTCAATTTATTGTAGCTGTTTTA  
GAGGTCCTATTTAGACGCTAGAGCATTACAAATAAGGATGCATTTTGTATTTGTGTTATGAATTTGATATTTTC  
TATATTGTCTTCATTTACAGTGAATCTACGTGCTAGTGCATTTAATAAACACAGTTGATTTGATTATTAGTG  
AGTGAGTGAAGAGGAAAAACCTT

>trans\_c\_765 NM\_001059234|Oryza sativa Japonica Group Os04g0403500 (Os04g0403500)  
mRNA, complete cds

GGAAAAATCTGAGACGAGTGTTTCATTAGGAGCTTCTTCTACCACCAGCAAGTCCTTCACAAAAAGAAAAATA  
TCCATTGCCATAGCTCCACAACCAAGCTCTTCGCTATCAATTTCTTCCATCCACCATCTTCCATTTCTCCTTCCCT  
CATCATCCACTCCAATCCCCCACTACAACATGGCCTCGATTTTCTTCTCACCTTCTCTCCTCTGCTTCTCCTCTC

TCAACACCTTCCTTTCAACCTCGCTCCACCTCCACTTACAACCCCGTTCGTGTCGATTGGTGTTAGATGTAGT  
TATGCGGACGCGGGAGTGAGAGAAGATTATGCGCCAAATACTATAGATGTTGTTGCGGATGTTAAGAGTGAC  
AAGGTTGTGGTAATAGGAGGTAGCGGATTTGTTGGTTCTGCTATATGTAAGGCGGCAATATCCAAGGGCATC  
GAAGTGGTGTAGTGTGAGCAGGTGAGGTCGTCCAAGTAATACAAGTTCATGGGTTGATCAAGTACTTGGGTTG  
CAGGAGATGTTTTCTACCTCAACTGGGACGAAGTACTTGTGGGGCTACGGCAGTGGTCTCAACAATTGGAG  
GTTTTGGCAGTGAGGAGCAGATGAAAAGAATTAATGGTGATGCCAATATTGCGGCTGTCAACGCAGCATATG  
ATTTTGGGGTTCCCAAATTCGTCTTAATATCAGTCCATGATTACAATCTGCCTTCATTTCTACTTTCATCTTCATA  
CTTCACTGGAAAGAGGCAAGCAGAGTCTGAGGTCCTCTCCAAATTTCCAAGATCTGGCGTTGTACTTAGACCT  
GCTTTCATTTATGGAAAAAGGAGGGTAGATGGTTTTGAGATTCCCTTGATTGGTTGGAGAACCAGTGGAAA  
GGTTTCTGTCTGTCTTTGGAACTTCATCAACCTCTAAGTTCATTCTGCTTCCGACGTTTTTCTTGCTCCCC  
CGTCAGTGTGGACGATTTAGCACTTGCTACTATCAATGCGATCACCGATGACGATGTCTTTGGTGTTCACAA  
TTGAACAGATCAAGGAAGCTGCAGCAAAAGTGAAAGCCTGACATAATTCTCTCTCAGTTTCTGCTGAAGAAAC  
ACAGCATCTCTCATGGTTTGGGCAATATCATAATGAAAATTAGCTTCTTTAGTTATAGTTATCTGATGGCCGAC  
CTATTTTATAGTACTCTCAAAACATTCTCTATATTGCTATAGTTTCATATATTGAAATATAGGTTACCAAATTA  
TATTCTTTAGTACAAAAA

>trans\_c\_766 XM\_002893970|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WW domain-containing protein,  
mRNA

TGTTTCTTATGCTTCAGCAGGAAGATCATATCGATGGTCATATGCATTTTGAAATGGACCTATCATTGTGA  
CACTGGGTACCGATCAAAATCTTTCTGTAAGATATAGGAAAAAGAAAATGAAAAGAACACGCAGACGCGCAC  
AATTATCTGATAGAAATGAAGAATTCGTTCTTTTGCAATCACTGAAGAGTATCCACAAGTATTACTAAGTAT  
TGGTGTGAGAGGTATCAACTCTTCTCCAGATTTGATGATGGTATAAAAATGGACAAAGAAGGATGGTTTTCTG  
TAACTCCAGAGCCTATAGCTAGGCATCACGCCTCACGTTGTGGTAGCAATATGATAATTGACTCTTCACTGGT  
GTTGGTGAAATGCCATCCAGTTTTCCCAAAGGGCCAAACATGTTATTGCAATTGATATTGATCCAACAAAGA  
TTACATATGCCCAACATAATGCTGCTATATATGGTGTTGAAGATCAAATAGATTTCTAAAGGGAGACTTCTTC  
CGTTTAGCCCCACACCTCAAGGCTGACGTTATATTCTTATCACCTCCTTGGGGAGGCCCTGATTATGCCAGAGT  
AGATATTTATGACCTGACCAAGCTCAAACCACATGATGGGTAAGCTGTCTGACTTTGATAGTTCGTGGTGAGT  
TCAGGTTGCCCTATTTTACCATCCTCTGAGCTTTGCTTTGCCTGTACCTATGCAGGTATTTTCTTTAATGTT  
GCTAAGAAAATTGCTCCCCTCATTGTCATGTTTCTTCAAAAAATGTTAATCTCAACCAACTAGCGGAGCTGTCT  
CTTCTTCTGATCCTCCATGGTCACTTGAGGTAAGAGTATTCTTTTGTGTTTCAATATTCGCTCTTATGAATTCTT  
GGCATGCTTAACAAGTGACAGATATTATTGAGGTTGGTTGGTGCTTTTGTGGAACAAAGAATATTAACAA  
TTGCAGAGTTAAGTCAGTAGTTCCTATTGCAAGTTGAATTTGAATTTGCATAGCTTATGAGTACCTTATCACCT  
TGTCTCTTATTACATGCAACACTTGCAATTTCAAACCACTGACCAATAATTCATGCATATGCATTCAAGCTTCA  
CACACACTTAGATCATGAATGTGTACCAACATCTACACTCCTCTCCTAGTCTGGAGAATGATAACTTCTTTTTT  
TAACCTCCCATTTGATGCTATTTTCCCTATAACCTTAACACAAAAATCCTTCAAAACGTTGCATCTTATAACTT  
ATTTTAAATTCTAATTATTGCAATTGTGTTGTAGGT

>trans\_c\_767 NM\_001050527|Oryza sativa Japonica Group Os01g0702000 (Os01g0702000)  
mRNA, complete cds

ATGAAACTCAAATTTTGAATGAATTTGAACCCAAAGGTGACAAATTTAAGAGTTTGGATCAAACCCATAATTT  
ATTTAACCTCCAAAAAGGGAAAAAGAATTATCTTTGGAGAAAGAAAGAAAACCTTCATCATGTTTGAAGTTGTG  
GAGGTTTGTATTGTGCCTCATCATCTTCCTTTCATCGTCTTTGTCCATTTCTCAAAATCTCTTCTTTCAAATCA  
ATTGAGCAGATTGAAAACAACTCTCTGTATCAGCGAAAAATAAGCGCTTTTTCAGGCCAACCCCACTTCACC  
CAACTTCCCACTTTCCCTTTTCTTCTTCAATCTCCATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCCTC

TATTTTTCTTTGTAATTCCCTTATTACAATGCTGGGTTTGGCCCCCTCACTTCCGTCTTCTACCATTTTCTTTGGA  
TCCGCCATAGCCATGGATCACCCCTCTGCTTCTCGCCCTTCTGTTCCCTACACTTCTCTTTCACCGATCGCGTC  
CCAATGCGGTTTCGTTCTCGCCGCCCAAGTCGATCCTCATTTCTTGTCCTTCTCGTGATAGATCCACCAACA  
GTGATGATGATGATAATTCCCATCAGGATTATTTCAAGCTTCATTTCTTGTTTCAGAACTATCTATCACTATC  
GAATGTGGAAGAAGAGGTTTCAAGAGGATGTGAATTTCAACCAGAGAGAATCTCGTGCAATTCTCTTCACT  
CGGACTGGGGTTTTTTAGACGTTTCCGAAGCCCCACTGTGTTCTCAAAATTTCTTGCAATGGAGACTTTCTAC  
TGCCAATTGTCGTTGGGGAATATGCTATTGAGAACTTATTGATTGTCAGCTTGGGATTGAAAATGGGGAGGC  
CCCAGATATTTTTCAGTTTATACAAGGCCTCATTGTGAAGGTTGGCTATGAGGCCATCACAGCGAGAATTACTG  
AAAGAGTGGTGAATACTTACTTTGCCCCGCTCTTCTTGAGAAAGGAAGGGGAAAGTGAGATGTTAAGTGTGG  
ATGCACGCCCTCAGATGCCCTAAATATTGCATATCGGTGTAAGATACCGGTACTTGTAGTAAGCAGATTGTC  
TTTGAGGATGCGATAAGAGTTAGTTACGGGTTTGAAGAGTGCACGAGAGGAAGTCATGTTTTGATGTTTTA  
CTTGACTGTGCTGCAGATGGCCAGATTTCTGTCCGAGGAACTCGATATGTTGAAGAATATGAAAATTGCCA  
TTTATGAAGAACGGTACAAAGATGCAGCCATGTG

>trans\_c\_768 XM\_002882119|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata adenylate kinase family protein,  
mRNA

TGGAACCTCTCGGCTTCATCATTCCCCCTCCCCCTTCTCTCCTTCTCTTTTTCTTACTTAAACCCTAAACCT  
TCGACGCCGCCATGTCCCTCCTCGGGCGTCTCAGCGCGCTGTTGCGCCCACTCCGCAACCGTCGCCACTCTCAG  
ATCGCTGGAAGAGCGTACGGATCTCGGCAGCGCTGGAGGTGGATTACGATTACTATGAGGACGACGATGA  
TTTCGAGAGACTGACTGGGGATCAGAGCCATGGCAGGGCGATGGCTGACTCTCGAGGGTGGGTGCCGAAAA  
GAGGAGTGCAGTGGGTGGTTTTGGGAGACCCTAGGGCGAAGAAGCATGTCTATGCAGAAAGGCTCTCGAAG  
CTTCTTGATGTTCTCATATTTCCATGGGAGCCCTTGTTGTCAGGAGCTTCATCCTCGGTCTTCCATCTACCAG  
CAGATTGCTAGTGCATCAATGAAGGAAAGCCTGTTTTGGAAGAAATCATTTTCAGACTGTTGTCAAAGAGGC  
TAGAAGAAGGGTATTGCAATGGTGAATCAGGCTTCATTCTGAAGGAATTCCAAGAACAAGGAATCAAGCCG  
AGATTCTTGACCAAATTGCAGATATCGATTTGGTCATTAACCTTTAAAACAACCTGAAGAGCCTTTGATTAGAAAG  
AATCTAGGTTCTGGAACTTCTCTGGCTTTTCATGAATATAGTACTGTATGCAGCTCTGGAAGCAGTCAAAATTT  
TAAGCCAAAGGACAAAGAGCCGAAATGCCTTTCTGCTACTACAGAATATTCTTGGAAGAAATGACATCTATG  
GAGCAGAGGAAGCCATTAGTGGAGTACTACAGAGGACAAAGGAACTTGTTGACTTCCAAGTAAGAGGAGC  
TCCTGGAGAAACATGGGAAGGGTTATTAGAAGCATTACATCTTCAGCATATTAATGCTCTTAGTTCTTCTTCTC  
TACACAGAAGCTAACCACATGATTAGCTTTCAAGTTTTGGTTGTTCTGTTTTTGGTGTTTTTCTTTTAAACCA  
TGCCGGCGTAGTAGTAAATATAAAATGTGAGAGTGTATTGACATAACAACATAATGCTGGAGTTTTATCTCCA  
CCATATATATTGAGTTTTGAAGTTTTGGTTCCACAAATTTTTGTTTGCTGGATGCTTTGAATGAATGTAAGCAAA  
CCAGTTTGTGAGTTTTGTAATGTAGAAGTCAGAAATAAGAGAGATCCTCTCTTACTCTTTTATACTATAAAGT  
GTACCTTTCACTTATGACAAAAA

>trans\_c\_769 AL161596|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 92

CATTGAAAATCCTTCCTTTCTTCCCACTTCTTCTACCTCACTCACTCTACAAATTCTCCATCTCAATTCAATGCAA  
ATACTCTCTCCTTTTGTGTTTGAACCCTCAATCTATTCTTTAGAGAAGAACCAGATTTAGAAATGGCTCGA  
GTTGGGAATTTAGAGCCACAAAGGTAATTCTTCTCTTCTGTTTTGGTTCTTTTGCTTCGGCTTTTTCTTAT  
GTGTGCGCGCCGAATCTGAATCTCGAAATGGAGAATTGTTTCAAGAGGTAGAAGAATTTTGGAGTCGGTGG  
AAGAAGATGAGCCGAAGAAGAAGAAGTCTAGTGATGCCTTACCCACCAAACTCATAACAACAAGCTCATT  
AAGCTCCCATCCAATCCTCAAAAAACCAACCAAGCTTATTAAGAATAGTTTGTGACCAAGAACAACAACTATG  
CTTGGAAGACTACCAATTCACCAAACTGACATCCAGTGGCATCCTTAAGGTTGGGCTCAAGAAGCTTAATTC  
CACCGCTAAGCTCAATTACACATCAAAATCCTCAATTCTACCAAAACCACTTCACTCTTGCCAAGAAATCCTC



AGATCTACTCAAAATAAGCACACCCAAGAACAAAACGACAACACCCAATTCCTCAAAACAATCCCAAACCACC  
CATCTCGACAAAACAAACAAAGAGCAGAAATCAGAGAAGAAGCCGAATGAGGAAAAACCAAAAAACAAGT  
ACAGGCCAAAGCAAACCCAGTTGGGTCGACGATGACGAAGACGACGATTTAGTCTCGGAGTTCAGAGATCT  
ACCCACGAAATTCAGAAAACCTTTGATCCCAGACCTGGCGAGAATCTCCACCACTTCCAAAGCATACTACTA  
AAGCCAACAAACAAATGACAATGGGATTCAAACCCATCGTGGGTAACAAATACGCCTCCACAATCGTTCTCT  
AACCTCCTTCGCATTCATTTTGATTCCGTTAATCTTGGTTAGTCTTTTATTCAATCGGATCAAAGCTTATTTCTCA  
CTCCAAAAGTTACTGATATTCATCCAAGTCTACCTAGCAATCTACTTCGGCATCCTGTGCTTATCGTCGGTGGT  
GACTGGGCTGGAGCCCTAAAATTTTCTACGCCACCTCGCAATCAACCTACATTTGCTTGCAGGTAATGCAAA  
CCCTTGGATACATCTTGTATCTGCTGCTTCTGGTGATGTACCTGGTGCTGGTGTTCTCCACCGATTGTGGGCTG  
GGCTCGAGGATGTTGGGCCTGGCCCAAACCTTCGTTGGGTATG

>trans\_c\_770 NM\_180185|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT3G05090) mRNA, complete cds

ATCCTGACAAAGGATGCTGCTGGTTCAGTGAAGCTATGGGAGGTTACCAGGGGCATTGTAATTGAGGATTAT  
GGAAAGGTCTCATATGAAGAGAAAAGGGAAGAGTTATTTGAGATGGTGAGCATTCTGCTTGGTTTACCGTG  
GATACCAGGCTTGGGAGTTTGTGCGTTCATCTTGACACTCCCAATGCTTTTCTGCAGAGATGTATTAGCGGA  
CCTTAATATTACAGGAAAGCCGGAAGATGATAAGGTTAATTTAGCTCGAGAAACCTTAAAGGACTTATGGCT  
CATTGGTTTGCCAAAAGAAAACAAAGATTTGGGTCACAAGCTTCGGCTAATGGAGATGTTCTTTCTGGGAAGG  
ATACTAGTGCAAGAAGTCTTCCCATTCAGGCTTGAAGCTGATGGCAATGCTGAAAATGATTCAATGGTCTA  
TCCTCCATTTGAATTTCAACAGTTTCTCCTCCTTCAATCATTACGGAAGGTTACAAGGTGGTCCTTGGAGAA  
GGAAGATTACTGAATTGGATGGTACAGAAGATGAGAAAGACTTTCATGGTGGTGTGGACTGCGTGTTGA  
ATAACCGTCTACCTCCAAGAGAAAATACCAAGTGTAGCTTTTATCTACATCCTTGCGAAGGTTATCCATTAG  
ATCCTTACACAAGGAAAACCTTAGCGCTCCTCGTATTTTGAGAGTGCATAAGGTTGTAATTATGTCATAGAGA  
AGATGGTCTTGACAAGCCATTGGATAATTTAAATCCAGATGTTCTTTTGGTCCTGGACTCTCTTCGACCGTT  
GGAGACGTATCATTTGCGTCTGGTTTAAAGCCTTGGCAAAAGCTTAAGCCTTCTATAGAAATCTTATGCAATAA  
TCAGGTCTTGCTCCTGATATGAGTTTAGCCACAGTTAGGAATTACATCTGGATGAAGCCAGAGGATTTAGTTC  
TCAATTACAGAGTGGTTCAGGCAGGTGAACACATGCAATAGGTGATTCTTTTGCTGAGGAACTGGGTGTTG  
CTTCATTTTGGGGTGCTTGATATGAATGAAAGCGTTTAAATCCAGGCATTGCAAATCTGAACATCATCAACCCAT  
TTCTCAATTCCGCATTGTTTCTCGAACTAACCGAGAATTTTCTGGTCATCATTTTGAAGGTGAAACTGCGGGC  
GTTATAGATTTTTCGATCTTCATCTTTGCTGCAAGGTGTAAGTTTTACAAAATACTACAGTAGGGAAGAAG  
AGCCTTGGGTTATGGCATGGAGGTATTTTTCTTGATTATGGAGGAGAAACC

>trans\_c\_771 X79329|M.indica (cv Manila) AOMI 1 mRNA

CGTTAACCAATTTGGTCCATTTGTTTTATTTCAGAGATGAATCGGATTGTGATTAGGAGTCTTGTCAGGGGT  
TTGGTTCATAGCCGCAGCTTTAGCTCCGTCGCCGGGGTTCCCGGTGGTGCTCGTATGAAAGTTACTTTCGCCGC  
GGTGGCATCGCCGGGGACAAGGTTACAGCCATCGGCCGATGGCGGATTCCAGTGGAGAAGGTTTCTGAATTC  
GTCGACGGCGGTGGCCGAGGAACAGGGGAAGGTTAAATCAGAACAAAGGGGTAAAGGATATTGAGAATCCTC  
AGGAGAAGGAAAAGGAGAAAGATAATGCTCTGTTTCTAGTTATTGGGGGATTTACAGGCCGAAGATTACTA  
GGGAAGATGGATCTGAATGGCCTTGGAATTGCTTCATGCCATGGGAGACTTACAGAGCGGATTTGTCCATAG  
ATCTTGAAAGCACCATGAGCCCAGAACTTTCTGGACAAAGTCGCTTACCGAGTTGTGAAGCTTCTTCGGAT  
CCCAACAGATATCTTTCAGAGACGCTACGGTTGTCGAGCAGTGATGCTCGAGACGGTGGCAGCAGTGCC  
GGGAATGGTTGGAGGGATGCTGCTGCATCTGAAGTCTCTGAGGAAGTTTCAGCACAGTGGGGGGTGGATTA  
AGGCCCTGCTGGAAGAAGCAGAAAATGAGAGAATGCATCTCATGACCATGATTGAGCTTGTGCAGCCTAAGT  
GGTACGAGCGGTTGCTTGATCACAGTGCAGGGAGTCTTTTCAATGCCTTCTTTGTGCTCTACTTGATGTCC

CCCAAATTGGCTCATAGAATTGTGGGATATTTGGAAGAGGAAGCTATCCATTCTTACACCGAGTACCTGAAGG  
ATATCAACGAAGGAAAAATCGAGAACGTTCTGCTCCCGCCATTGCCATCGACTACTGGAGGCTGCCTAAGGA  
TGCAAGGCTGAAGGATGTTATCACAGTCATTCGGGCCGATGAGGCCCATCACCGTGATGTCAACCATTTTTGCT  
TCTGACATCCATTTCCAAGGGAAGGAATTGAGAGAATCAGCAGCCCCTCTAGGATATCACTGAATTCATATTCT  
TTTTCTTTCTTTTTCTTTTACCTGTTTTAGATTATAGCCCTAAAAAGGTATAGTATTGGTTTTATGTTGTT  
GAGGTGTACAAGTGGAACGCTCTCAATTTTTAGTATGTGTTGTAATTTGTACATAGGTTCCCTCTTGAAAATA  
TCGTCCAATAAAGACAGGCCTCATAAGTTTACTAGCATATGGTTTTATGATTCTTAAA

>trans\_c\_772 NM\_119262|Arabidopsis thaliana SKB1 (SHK1 BINDING PROTEIN 1); protein  
methyltransferase (SKB1) mRNA, complete cds

AAGAACGAATTGAGCTGGGATACAGAGACTTCTTACAGGCCCTCTCCAACCTCTTATGGATAACCTAGAGTC  
TCAAACGTATGAACTTTTGAGAAAGATAGAGTCAAGTACATTCAGTACCAACGTGCAATAGTTAAAGCTTTA  
AAAGACAGGGTGGCAGATGAGAATGCATCTTCAATAACGACAGTATTGATGGTTGTAGGTGCAGGACGTGG  
ACCTCTTGTTAGGGCTGCATTGCAGGCTGGAGAAGAAACGGGTGCGAACTGAAAGTATATGCAGTGGAGAA  
AAATCCCAATGCAGTTGTCACTCTTCATAGTTTGGTGAAAATGGAAGGTTGGGAAAGGATTGTTACCATAATT  
TCTTGCGACATGCGTTACTGGGATGCTTCAGAGAAGGCTGACATTTTGGTCAGTGAGTTGCTGGGTTCTTTTG  
GTGACAACGAACATCTCCCGAGTGTCTTGATGGGGCCCAAAGATTTTTAAACAGGATGGCATTTCGATACC  
TTCTTCGTACACGAGTTTCATCCAGCCAATTACAGCCTCCAAGCTATACAATGATGTTAAGGCACATAAAGATG  
TGTCCCACTTTGAACTGCGTATGTTGTCAAACGTGACAATGTGGCAAGACTCTCGCCTCCTCAGCCCGTTTTT  
ACCTTCACTCACCCCAATTGGACACCTGATGGAAGCAATCAGCGATATAAGAAGCTTGCTTTTGAGATACCTAA  
CGATACCGGTGCTGCCTTAGTTCATGGCTTGCTGGTTATCTTGATGCGACGTTGTACGGTGACGTACATCTAG  
GCATCGAACCAACAACCGCAACACCAAATATGTTCAAGTTGGTTTGCTATATTTTTCCCGCTGAGAACGCCAATA  
TGTGTCCGACCTGGTTCTCCGGTAGAAGTACATTTTGGCGTTGTTGTAGTCCTCATAAGGTTTGGTACGAGTG  
GAGTGTAACATCTCCATCCCAATCTCCGCTACATAACTGTAACGCTCGTTCGATTGATGTCGGCCTATAAAGA  
AACAGGGGAAAAGGCGCCTCAAGGAAGAATTCAATGGTACGCGGCCTAGTGCTTGGTAATTTCTTCTCTCGA  
ATTATACAATTCTATATGAACGAACGCTTTGCTTTGCTTGGACACAACCTCTAAATTGTAGGAATGTCATACAT  
AGTTTTTTGCAGAATTAGTCTCGTATCCCGAGTCTGTTGCAACTCCCTGCCCTTTATAGGTCAAATTAGTTTATG  
TTCTACATCTTTTATGCCGCCACCTACCTTCTACTTGGCTTTTCCACATC

>trans\_c\_773 AY054153|Arabidopsis thaliana At2g17240/T23A1.10 mRNA, complete cds

AGTGACGCCGTGGTGCGGAGAGAAAATAAGAGGCGGTCCGGTGTCCATCTACTCTTGTGGCGGCTATTTTCAT  
TTTGGTGGAATCGGCCACCAGCAGATTCAGTAAGACTCGAGCCGTCACCTCAAGGTCGAGGAAGTTCATGGC  
GTCGATATCCCTTTTCAGCTCTAAAACCCTAGTCTCACCATCGGCAACCTACCTACGGATATCTTCTTCTCATCT  
ACAAGTCATAGTTGCTGTCTTGGTGGCTGCAGATGCTCCTTCCAATCAAGCCGCTTTCTACTTCTAATTTTATT  
TTTGGTAGAAGGAGAACGGGGAGGCAGGTGGTCCGAATGGCCCCGGAGGAAGAGAAGCTCACTCGTCGCAA  
TCCTCTTGATTTCCCTATTGTATCTTTCTCACTCTTTCTCCTTTATTTTCTGAGCATTTTATGTTTTTTTTTCGT  
CTTGCAATGGAATTCTTTTTGTCAGATTTTGGTGCTTTTGTCTCCCGTTTTTAATTACTTTTGCTACTCTACCCCT  
AGATTAATTAGGGGTGGATAATTGAAGCATTTCTTGGAAATTGTTATAATTATTGTCAATTTTTTATCTATGAAG  
GTTTTAGAAGGCTTATTCGTGACTTATCCTACCACGTTTTTCTGGAAATTGTATCTGCCTGCTTGTTTCGGCTA  
TGTCTGCATTTTTGTTGTTAACTTAGATTGGTAGAAGTTATTGGCAGGCCTCAAGGCATTTTATTGAAGATCC  
CACGTTGAGAAAAACAAGGACCTCAAATCTATTTAGTAGATGGGTACTCAACTGTATGTTATCTAATATGA  
TATAAGTGTCCATGAAGTTCAAACGGGCATTTGGTCCAAAATAAAAAAGTTGGGATCTGACCAAGAATGGCGA  
ACTTAAGGAGAACTATCTTGAGGGACATGTTGAGGATCTCATGCAGAAAAATCTGAGGGACTTCACAACTTT  
AATAAGATAAATTACTTCTCATCTCACTGCATGTTATCTTATACGTTTGTGTGGCAGTTCATAGGGCTGGTGCG

AGTTTCTTTGAGGCATTTGATACAAACTTTGTCAGTTTGCAAGGTGGTCGGGAGTCAATTGAGAAGTTGCTAT  
GCCATCCTCCTTTTCAATAGAAAGAACCATTGTTTGTGACAAGTTGCAGATGTGCTATTCAGTGGCGTCTATGG  
TCCAGACAAATAATAGAACTTTAGGGAGAGGAGAGTTCTCACAGGGGTGTTCTGGGACCTTGGTGTCCATAT  
CTTTTGTAAATACCCATTGAGTTACACTTTTTCTTGATT

>trans\_c\_774 XM\_002892407|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T27G7.2, mRNA

AAACCAAACCAAACCAAACCCTCCGCCATTATCGTCTTCTTTCTTCTTCTTCTTCAATTCAATCCAATCCAA  
TCCAATCCAATCCAATTCGCAGTTCGTTTTTCCCTTCAAATTCCTCTCGGATTCTTCATTTCCATTGCATTTCACT  
TTCTTCAAATGGAGGTTAAGCGCCGTACAGTTTCCACTTTAGTCTCTCGCCTCAGCTCCGTCTCCGAGCAAACC  
CGATGCGAATCTTTGTCCGAGCTCCGATTGATGACCAAAACGACGTCGAAAGCCGTTCTCTCATCGTCGAAG  
CCGGTGCCCTTCTTACTTGTCTGAAACTCTGTATTCTTCTTCTCACGTTGCCAAGAAGACGCCGCCGCTACGC  
TTCTCAACCTCTCTATCTCTCCCGTCAAGCTTTAATGTCGACTCATGGCCTTCTCGACGCGATTCTCATGTACT  
TAGCCATCACAAATCTTCTTCTCCGCATCCGCTGTTCAATCCTGTGGTGCGACTCTTCATAGTCTTCTCGTTGTG  
GATGAGTACCGCCGATTATTGGTTCCAAGCGTGATATAATCTATTCTTGTGATATTCTTAAGTATAGGAA  
ATCTCTCAGAGATCGATTAAGGATGCTTTGAAAGCGTTGTTTGAATTGCGCTTCACCAGTCGAATCGATCTA  
CCATGGTGGATCTTGGAGTGATTCCGCCGCTATTCTTTGGTTGTGGTTCGGCGGTACGCTGGGATTGTCTGA  
AGATGCGTCGGCGGTGGTTGCGCAGGTGGCGGGATGTGAAGAGAGCGAATTGGCATTTCGTAGGGTTTCTG  
GATTGGGGGTTTTGGTGGATTTGTTGGATTCAGGGACTGGTTCGAGTTTGAGAACGAAGGAGAACGCGGTAT  
CGGCGTTGTTGAATTTAGCTAAATGGGGCGGCGATAGGGCGGCGGAAGATGTGAAGGATTTGGGATCTGGA  
ATCTTGAGCGAGATTGCGGATGTGGCTGTGAACGGCAGCGAGAAGGGGAAAACCAAGGCGTTGAATTGTT  
GAAGATGGTTGCAAGTGGCGGCATTGATGGTAATGTATTTGAGGATTTGCAATTGAATCGTTTGATAAATCCA  
TGCTCTGAATAGCTTCTTGTTCATCTTGCTCTCACTTTGATTGATAGATTGACTGTTTACTGTTTCCCCACCATA  
TTTGATAAGATCAGATTGATTCTTTCCCTAGATTGAACAAATTCTATGTACAAATTAAGATAGAATATGA  
AAATTCTACACATTCATCAGGTCCATTCCACAAGTTTTCTGTG

>trans\_c\_775 DQ370175|Coffea canephora plastid fibrillin 2 (FIB2) mRNA, partial cds; nuclear  
gene for plastid product

ATTCACTCGAACACCTCAGAACATTGAAGCTCACAATGATGGCTTCTCTACTGTCTTCTTGTCTTCTTCTTTTTC  
TTCTTACGGAGTTCCCTCTTCTCACTACAAACCCTAAATCCCCTCTTCTCTCTATCCCCACTATTTCCCATC  
CATATTTATCTCTTCAATCTCTCTCACAAAGAATCTGGAGCTCTCAGATTCCCTTCCCTTCGCCTGACCTCTC  
TCTCTCCGATGACCCATCTACCACCGACGAAGACGATACCACTTCTCTCCGAAGATCACCGACGAGTGGGGA  
GAAGAAACCGAACCGGAACCTGAATCTACGTTGACGAGATTATCGGACTTCGATCCGCCGAAGGAAGATGAC  
GAGTGGGGTGGCGATGAAGGAAATGGTAAACCTTCTGTGGTTGAGGAAAAGAGTGAGGAGTATGCGGATG  
ATCGTGATAAGCTTTTGGAGCTTAAGAGATGTTTGGTTGATACGGTTTACGGGACTGAGTTTGGATTTAGGGC  
TGGGTTGGAGGAAAGAGCTGAGATTTTGGAGATTGTGAACCAATTGGAGGCGGCGAATCCAATCCGGCGC  
CGGTAGAGGCCTCTGGACTTCTAGATGGTAACTGGATTCTACTGTATACTGCATTCTCAGAGCTGCTGCCACTT  
CTAGCATTAGGAGCATTGCCGTTGGTGAAAGTGGAGAAGATTACTCAAGAAATTGACTCAAAGACGTTTACCA  
TTGTGAACTCCACCACTTTGTCCAGCCCATTACTACATTTTCTTTCAGTGCATCTGCTGCTTTTGAAGTTCGAA  
GTCCTTCAAGGATACAGGTTCAATTCAAAGAAGGTATTCTGCAACCTCCTGAGATAAAGTCAAGGCTAGATCT  
TCCAGAAAATATTGATATATTTGGACAAAAAGTTAATTTATCCCCGTGCAAAAAACTCTTAATCCGGTACAGC  
AAACAGTAGCAAGTCTATTCCAGGTCATTTGGGTGAGCCTCACTCAAGATACCAATTCCAGGTGATCGTAAC  
AGGTCCTGGCTACTTATTACATACCTCGATGAAGATCTTGAATATCGAGGGGTGATGGTGGTCTTTTTGTCT  
TGTTAAAGAAGGGAGCGCTCTACTAGATCAGTGAAAATCAGGTACTTTCTGTCGTCGAATCTGGCATGTAATT

GCTTATATTTTTTAAATATCAAGTCATGAAATGCCACTTTCTACTTTCTAGATGAGTATGATACAGAAAATATAT  
TGATCATGCATCTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_776 AY780430|Populus alba x Populus tremula RING-H2 subgroup RHE protein (RHE1)  
mRNA, complete cds

AGTCAACTCTGGCGTCTCCTTGTCCCATAGAGATAGAGAGAGCAAAGAAACCCCGAAGAACTTTCCTCTTTCTT  
CTTCGCTAAAAACCATCTTCTCTACTAACAATTCCCCAAAAATTCTCTATCTCCAAACAATGGAAGCCGCCAT  
GGAAGATACCAGCTCCCCTTCTCCTTCGGGAATCAAAGATTTGCCCCTTAGCGGCAAGATTATGCTCAGCGCC  
ATCATCATCTCCTCTTCGTCTCTTTCTCATCATTTGCCTTACCTTTACGCCCGCTGGTACGTTCTCCGTGCTC  
GCCGCCGTGGAACCTCCGCCGTCGCAACCGTCTCGTCTTTTATTTGAACCCGAAAACCTCTCTGCCCCACAT  
GGCACCGCTGTCTCCCAACGTCGAGGCCTCGATTCTCTGTTATCAACTCTCTCCCTGTTTTCACTTTCTCTTCTA  
AATCCCCTCCGATCCCATAGATTGCGCTGTCTGTCTATCTGAATTTGAGGAGAATGAGAAGGGTCTGACACTT  
CCGAAATGTTCTCATAGTTTTTCAATTGACTGCATCGATATGTGGTTTCACTCACACGCTACTTGCCCACTCTGT  
CGTTCACCGGTCGAGATGGCTACGGAGGCACAGCGGAGGTTGAGATTTCCATGGAGGAACAGCGATAGCT  
GAATCCGGTTCGAGTTCTTCTGGTTTTTTCGCTGAGTGCGATCGACCCGACCGGATGCCTCCTTCTTCCACAGG  
TTCTCGGTCGTTTAGGGCGCGGCGAAAGCCGTCGGAAATGGGTGGAGTTTCGATTGAGATTCCAACGAGGAG  
GGAGGGGGAGTTTTCGTCTTCATTGTGCGCGACAACCTCCATCGTTTAAGTCGCCGATAAGTCGGGTGATGTCT  
TTGTCTGTTCAAGATGATCATTGGTCGGGAGAGAAGAGGCGGCACGTCACCGACCGGAAATGGAGTGGGATG  
CAGCTCCGGCAGCGGCGTGGAACGGATATTGAGAAGGGAAAGGAGAGCGTTCAATGAAGTAGAAGTTGAA  
CTCGGAAAATTGATGGCTACTTGGAAGACAAGTCGGCTCAGTAGACAGGACGGTCAAGTCCAACCTCTGAAC  
GACAACGCCATGGTGGAAGGCTTAGTCAGATTAAGCACACGTGGCAGTTGTGTTTTTCGTTTTCTTTAGTTTGT  
ATTCTTTTATGGAACGACGATTGTGACATTGTAGATATTGATGTCTTAATTATAAATTTTTTACCCACCCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_777 AB263748|Ipomoea trifida DNA, self-incompatibility (S-) locus region, haplotype:S1

AGTTATGGATCGCTGATCGAGCGGTGCTTCCGGTTGAAAACCTCGCTTGGCGGTTTCGATTCATAGAAATTATGA  
TCTCCTGCTTCGTATCGGCTGCACATTGTTGGTGAGGTTCAATTTCCGGTTCACTACTGCCTTCTGGCTCTTCC  
TGGAGTCCGTAAAGAGTATTTGAGCCGGGTATTTCTCATCCCCAAGCCCTAGCTCAATGCGAGCTTACTTTGA  
CGAAATTAGGGCTCAATGTGACTCGAGAGGCTGTGACGATACCGCCGGCGCGGAGAGTACATCGCAGCGA  
ACAATCTCTCAATACGGCGGCGATTGCGAGTGACGCGCAGCGGAACGTACGGTCTCCAGGTCATAGCGG  
ATGGAATCCAGGACGATTGAGTAACGTGACGCGATTGTTATGCTAGCTCGAGATCCGATTATACCCCGAAC  
AGATCGGCCGTTCAAACAGCATCGTCTTCGCTCACGATAAAGGAACATCCGCGCTATTCAAGGTACTTTCC  
GCTTTTGCCTTCCGCAACATTAGTTTGACGAAGATCGAGTCCCGGCTCACAGAAATTGCCCTATCCGTCTCGT  
TGACGACGCTAACGTCGGCACTGCCAAGCATTTGAGTACATGTTCTACGTTGATTTTGAAGCTTCCATGGCTG  
AACTAGGGCACAAAACGCCCTAGCAGAAGTACAGGAGTTCACATCCTTCTTAGAGTCTTGGGAAGTTATCC  
AATGGACATGACTCCGTGGTCCCCCTCCGGCGGCCATTAGCAGAACAAATCACATATCGCCGATCAAAATTTT  
ACATAAAAGGACGGCCGGAGAGGAAGAAGAATATTCCAGATTATTGCCAAAATCCGCCTTCTATTTTGTTC  
CGTTTTTTTCGTTTCGATCTGAGCCGCCGTTTGATTGGTCCAAAAGTCTTGGCGGCAGCGTCGTTGGCGGCGGT  
GGTGGTTGGTAAACGCGAACAGCGGCGGTGGACGGGACTAAGAAAATTGTAAAATAAGATATATATTTAA  
ATACGTATATGTATGTATGTCATGTGGATGGATTTAGATATGCGGTTGTGCTTAAACGACGTTGATCGTGGC  
GTTTTGTTTCGATCCGTTTGGAGGTGCTCTTTGTTGGGATCATGTTCTTACGTGGCGTGTTGTGACTGGGTCCC  
GGATAATATCATTCTGACAATTTTTTCTCTTGTAGATTATTCTTTTCTTAGTGTTTTTTTTTTTTTAGACGA  
ATAAAAATTAGCGTTGAGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_778 NM\_179312|Arabidopsis thaliana ATGLX1 (GLYOXALASE I HOMOLOG);  
lactoylglutathione lyase/ metal ion binding (ATGLX1) mRNA, complete cds

```
ATTACGGCCGGGAAAGTTATCATTATCGTTCATAGCAGCTTTGAAGTTCGAAGATATGGCAAATAACTTGGG
ACCTTTTTCTATCATTTTCATCTCTTCTCTTCTTTGATCATCGGAACTAGTTAGCGGCTCGTAATCTAAAC
GACAATGTGTTAGAATGGGTAAAGAAGGACCATCGCCGTTTTCTTCGTGCAGTTATTCACGTATCAGATCTTG
ACCGTTCTATTTCGGTTTTACTAAAGGCTTTGGAATGAAAGTTTTAAAAAGAAGGAACTTTCCAGAACGTCAA
TATAGAGATGCCCTCGTTGGATTGGACCCCAAAACACTCACTTTTTGTTAGAATTAAGACAAAGACATGATTC
CAATAATGTATTTATTGGAACAGAGTTTGGACACTTTGGGATTGCCACTCAAGATGTTTATAAATCCGTGGAG
AAAGCTAGAGCTAATGGTGCATTGGTGATCCAAAAACCCCAAAAGTTAACCAAAACCATGTTTGCCTTTGTGC
AAGATCATGATGGCTATAAGTTTAACTTATTCAAAGAATATCTTTGCTGATCCTCTTGTTCAGTTATGCTTC
ATGTAGAAGATTGAATCGATCTCTCAACTCTATACGAAGGCATTGGGCATGAAGTTGTTGAAAAGCAAAA
CAATTCAACAGGACAGATTGTTTTAGGGACTTTGGGTTATGGAATAAACCAAAAGTAAACAACAACAGTGTTG
CAATTGGAAAAGAGGAAAAATATCCCTCGTGATGATGGACGAGATGGTTATTCAATGGTGTATATTGGTACTG
ACAATGTAAACAAGAGTGCTGAAGCAGCTAAGCTGGTAATGAAAGAGCTTGGTGGTAACCTAATCATCGAGC
CTGTTCTACTGTCTGATATCAACGTCAAATACTGGCTTTTCTGACCCAGATAATTGGATAACGATTATGGTT
GACAATAAAGATTATCAAAGAGGAAGGCTATGAAGAAAAACAAGAATGTAGAATGACATTTAAATGCTAAA
CGTGTGAAGAGGACTATGTACATTTCTGAAGATTGAGAGTTTATTATTCCCTTACTTCAAATTGTCTTTATTAT
TATAATTAATATAGTGTTGTGTTATTATATTATTTACCTATTTTGTATTTCACTACATATAGATTTTTTTTTTTT
ATCAATTATATTGGTTAATGATTGTGGAATAATAATATGTCCTTTTGAGTGAATAATATGCATTAATCAAAGTT
GATGATGAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
```

>trans\_c\_779 NM\_180825|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT5G48655) mRNA, complete cds

```
AAAACACCTCCTCGCCTCTACATATATGGAATGGAAGGAAGCCACATTGCTTTTATATCTCGATTGCCGCCCC
CCTTCTCTTTCTCTCCATTTCTCTTCTCATTCTTCTCTCCCTCCTTTTCTCTCTGCAAGTCTCTCCGTTT
CATCTTTCGATCGCTTTGCTCCAACCCAGTTCGCCGTTTCGTTCTTCGCCAGGCTTGAAAGACAGAAAGAGCT
GTCGGGATGAGCATTCAAAGTTCAAATGATCTACATGATTGGAGTGCAAGAGTTATTGAGAGAAGAACAGTG
TTGGACTTCGATTTGAATTGTCCACCCCCGGATGAGTGCATTGATCCAAGTGGCCCCCGTGATGAAGCAGCGC
AATACTACAATCATTACCAAGGACAAGCCACAGACGCTATCGACGAGGACATAGCTATAATTTCTCCTAGGAA
GTTTGCTGAAGTATGTAACATTTTGGTAATATTATGATTGTATTCTTATTAGGCCACACTAGGGATTTAAGATG
GTGTCAATTTTTTTAGGCCAGGAAGAATTTTGAAGAAATCACTTTGAGAGTGGCTATGGTGCAGTCATCAGA
CGTAATGGCAACACAGAAGTATATGGTGCTCTCTCAGATGTAACAAGTGGCCCCCTTTACAATTTGGTCGCC
TCTTACAATTAGCAATAATGTATCCTTACAGGAACAACAACAATTCACTTGGACCTTCGCCTAAGCTGTG
AAAGCAGTAGTAGGGCCACTAAGGCAAAACTGACACCGACATTCTTCTACACTTGCCTAAGTAGTAGCAT
CCCACCTACAGATAGGACTTTGCGGTGTGCGATCTGCATAGAACCATTGGTTGAAGAAACGACAACAAAATGT
GGGCACGTTTTCTGCAGGAATTGCATCGAAACGGCCATAGCTACTCAACATAGATGTCCCATATGTCGGCGTA
AGCTTAGAAAACGAGATATTATCCGGATTTACCTTCTTTTACAAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAGATGAATACA
ACACAAGAATATTGCATCTGTATTCTTTTTCTGATGATGACGACGTCGACTAGGTTTGTACTTTGCACACAGTT
GCATTAACAAAATATAGATTTCTTGATTTCTTCTTTTTCTTGTTGTTTCATCATCTGTATTGAATGAACTATAA
ACAAAACTAAAATCTCTTTGATATGAGGTGTTTGTATTGACTGAAAAGACAGACGGTTGATTCATCAAAA
ATAGTTTATTGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
```

>trans\_c\_780 AY371292|Mesembryanthemum crystallinum early flowering 3 (ELF3) mRNA,  
complete cds

TCACATTATTGATTTACCTCTCTCTATGACCGATCTATGACGCAAACAGGTCCAACGGTTAATTGCTGGATCA  
CCTCATCTATTACTTGAAGATGGTGTCTTTCTGGACAGTTCTTCTCCAAGCCCTCTTCTGCAAAGAACTTAGG  
TCAGACTACACTATCAAATCACATGTGCAACTTCAGCCCAGTGATGACCCTAAGAAGCCAAAACACAATGTGG  
AATGTTTCAGCGGAAAATGCTGTTGGGAAGACTTCTTCTCTTCTGAGCCAATTAATTGCCAGCCTTCAACTAAT  
GGGCCTTATTCAGTACAAAATCCACAACCAACTTCTGTTTCTTCTGATAATAAAATTAAGCAGTTGGTACCAGAC  
ATCAGCACATCACTGGCTGGTCCCTGTAATGTCTCCTTCTGAAGGACTCATCTATAAGCCTTACCCTGGGCCTG  
GATTTATTTATGGAGGATGTGGACCTTATGGTCCAATGACCCCAATGATGAATCCATCCTATGGATTTCAGCT  
TCTGTTTCATCAAGGAATTGGAGCTCTTCTAGCACTCCCATGGTTGGTGGTTCTTCTTCCCCCTTATGGCATG  
CCAGTCATGAACCCGGGTATGTCAGGTTTTGCTGTCGATCAAGTTAACTGGTACGCAGGAGATCCAAATCAAT  
TATCGGGAGGTGTGGCCGCTTCCAATATACAGCATCAAACCTTCATATGATGTTTCAACACAGAGAGATAGAGA  
TGAAATCAAACGTTTTCACGAACTGCCAAGTCTCAAGCACCCAAAAGGAGTGAAGTACAAGTAAGTACTGCA  
AGCAGTCCTGTATGTAGTCTCTAGCAAAGTGCAAGGAAATAAGGCCAATCGAACTGCTGAAAGCCACAAC  
GTGCTTCCACTTTTCCCTTTAGCTCCGCCTCTGTAGAGGAAGGTCCTCAACCTTCAGACTCTGACCAAACACGC  
GTGATTCGAGTTGTCCACACAATAGAAGATCTGCAAACGAATCGGCTGCTCGAATTTTCCAATCTATTTCAAAA  
TGAGAGAAAACAGTATGACTCAATTTAGCGAGTTCCTTCTCCCCTTTTCTTTCTCCATTACCTCAATTATCTTTG  
AATTGTCTCACTATGTTGTTTATTAGTTTATTTTACACACTGCTTTTGGAGTATAATGTTTTGTTTACCTTCTCCCC  
CCTGTTCCCCCACCTCAAACAGTTTATATTCATATGTAAATACATCTCTGGAGATTTTAGTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_781 XM\_002315265|Populus trichocarpa chorismate synthase (CS2), mRNA

ACAAATCTCAACCTTCTCTTCTGCTTCTTCTTCTTCCATGGCTTCTCTTCTCGTCTAAACCGTTTCTGGG  
TTCTTCCAGAACCGAAGGCTTCTCTGGATTGACCTCTCTCTACAGATCTTCCAAGCTTCTTTTCCGCCGTT  
AAAATCTCAGTTGGGTCCCGAAACGCGAAGAAGCTGCAGATAAAAGCTGCTGGTAGTACATTGGAAATTAC  
TTTCGTGTTACAACCTATGGAGAATCTCATGGAGGTGGAGTTGGCTGTGTGATTGATGGATGTCCTCCACGTC  
GCCCAATTTCCGAAGCTGATTTGCAAGTGGAGCTTGACAGAAGGAGACCAGGTCAGAGTAGAATTACCACTC  
CAAGGAAAGAGACCGATACATGTCGGATACTTTCAGGAGTCACTAATGGAGTTACTACTGGAACACCAATTCA  
CGTATTTGTACCAAATACCGATCAGAGAGGACATGATTATAGTGAAATGTCAATAGCCTATAGGCCTTCTCAT  
GCCGATGCCACATATGACATGAAATATGGAATTCGAGCTGTTGAGGGTGGTGGCAGATCTTCAGCCAGGGAA  
ACCATTGGGAGGGTTGCTGCTGGAGCTGTTGCTAAGAAAATTTGAAGGAACTAGCAGGAACTGAGGTACTT  
GCTTATGTATCTCAAGTCTACAAGTTGTAAGTGTGCTGAGGAGGTTGATCATGAACTTTGTCAATGGAGC  
AGATTGAGAGCAACATAGTCAGGTGCCAGATCCTGAATATGCTGAGAAAATGATTGCTGCCATCGACGCTGT  
TCGTGTGAGGGGGGAATCAATTGGTGGTGTGGTCACATGCATTGTGAAGAACTGTCCACCTGGGCTTGGTTC  
ACCAGTTTTTGACAACTTGAAGCTGAGTTTGCTAAAGCTGTTTTGTCATTACCAGCATCGAAGGGCTTTGAAA  
TTGGCAGTGGATTCCGAGGTACATTTTTAACTGGCAGTGAACATAACGATCCATTCTATTTAGATGAGAATGG  
AAGAATTAGAACAGTTACAAACCGCTCTGGTGAATACAGGGAGGTATATCTAATGGAGAAATCATAAGCAT  
GAGGGTAGCTTTTAAGCCAACAGCTACCATTGGGAAAAAGCAGAATACAGTTACCAGAGATAAGAAAGAGGT  
TGAAGTATTGCTCGTGGTCGTACGACCCCTGTGTGCTCCCAAAGAGCTGTGCCTATGGTTGAAGCTATGGT  
AGCTCTAGTCTTATGGACCAGTTGATGGCACAGCATGGACAATTGCATCTGT

>trans\_c\_782 XM\_002306968|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb7  
(Lhcb7), mRNA

AAAACTGGTTTTTGATGCCTTTGGCTTAATCATCATTCCGTCACCAGAGATAGTAATGGCGCTAATTCAGCCAC  
ACACTCCAGCTTCTTCAATTTTCATCTTCATCCGCCTCATTCTACGGAACGTATCTTCAACAGCTCCGTCGCTCAC  
CACAACCTTAATCTTCAAGCAACCACTCTATCTCTCATCGTTCCACTTGCAGAGCTTCTGGCAGGAGCTTGC

AGGTGTTCTGATCTTCTCTGCAGTTCCTTTCACGGCGGTTAAAGCCATTGCCAATAGCCCGCTTGGAGAGTCGC  
TCCAGAGACAATTGGAAAAGAAGAAAAAATCTGCCGTAGCCAACCTCTTCCAAGTTCAAGGCTCTTGCTGAGGA  
GGCTAGAAAAGATAGCTCGTGGTATGGAGAAGAGCGTCCTCGGTGGCTTGGTCCACTATCATATGATTATCCA  
AAGTATCTGACAGGTGAAGTGCCTGGTATTATGGATTTGATATTGCAGGTTTGAGTGAGGATCCTGTGGCTT  
TCCAGAAATACTTCAACTTTGAAATATTGCATGCTCGTTGGGCTATGTTAGCATCCCTAGGTGCTTTAGTTCCA  
GAGATCTTGGATATTTTTGGAGCGTTTCATTTCACTGAACCCATCTGGTGGCGAGTGGGCTATTCAAACTTAA  
AGGAGATACACTTGACTATCTTGAATACCAGGGCTTCATTTAGCTGGAAGCCAAGGAGTGATCGTCATTGCA  
ATTTGCCAAGCTATTTTGATGGTTGGACCCGAATATGCAAGATATTGTGGCATAGAGGCATTGGAGCCTCTGG  
GAATATATCTGCCGGGGGATATAAATTATCCAGGTGGTGTGTTGTTTGATCCCTTGAATCTGTCCAAGGATGC  
TGCAGCCTTTGAGGAACTAAAAGTAAAAGAGATTAATAATGGGCGTTTAGCCATGGTTGCCTGGCTAGGATTT  
TACAGTCAAGCTGCTTTGACGGGTAAGGGACCAGTCCAAAACCTTCTTGACCACATTGCAGATCCTTTCCACAA  
TAACTTTCTTTCCCTGCTCAATTCTTCATAAAGTGGTTAATAATTGGAATTTGGAGTATAAAGTATAGTGTCTC  
AAATCTGTATAGTGTTCATAAGGGATGGACAACCTGTCATAGCTGTTCTAGACGGGAGCTAGTTGCTCAGTAA  
GTTAATACTTGTTGGTGTGGTATTATATCTTTCTATCTTATACCAGGTATCTTTGAGAACCTTATGCTTTGATAA  
AATTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_783 AJ576040|Arabidopsis thaliana mRNA for bHLH transcription factor (bHLH-alpha gene)

ACACTCTCCTCTTCTCCCCCTTCCCACTTGAGTTTGAAACTCTTCTTTCCCTCTCTCAGAAGAACCTCATTCT  
GCTGGATTCTTTTCTCCTTCTTAAATCCATCAATTTCACTCCATTTTCAACTCTATTTCTCTTCTAAACCTTCA  
ACTTCCATTGCTTGGTTGTTCTTCGATTAACCACCACAAAACGCGCTTCCGTTCTTCGATTCTTCTTCTGAATTCT  
ACTTTAGTAGTACTACTCTTTACAGCTTACGTTGTTGTTTCCGGTGATCGGATTTTGCCTCTATTATACTTTGTAT  
CGGGATGATTGCGAGCTCTCTTTGCAATGCTTCCGCTAAATTCCCGGCAGAAAGTGATGGAGGTAGAAACGAT  
GATGGAACAGAAGAGGAGTCTATGCTCGTTGATGAGAGCGCTCTCACTTCACTGACACCCAAACGGCACAA  
GACTGATTTCTCTATCTCCTCTAAGGAGAGGAAAGACAAACTGGGTGAACGAATTATGGCATTGCAACAACCTT  
GTTTCTCCATACGGAAAGACAGATACGGCATCTGTTCTACTGGAAGCAATGGAATATATCCAATTCCTTCACGA  
GCAAGTCAAGGTGTTGAGTGCTCCATATCTCAAAGCACACCCACTGTTTTGTTGCAGGAGGTGGAGCCATGC  
AGCCACAGCCTGAGGAGCAGAGGCCTTTGTCTTGTCCAATCTCGTGTACTGCTGGAGTTGCACGGAGCAACG  
GTGCAGATATTTGGGCTCCCGTGAAGACAATTTCTCCAAATTTGAGAAGCACATCTCACCATTCAATTGACCA  
TAAAATCAACGAGTCGGCAGCTTTTGCATACGGTTGCTAAAAAGAAAAGGGTAACTACTTATCTTGATATCTA  
ATTTTACAACAAATTTTCCCTCTGGAAGAGTAGGAAGATGAATATTGGTATCAAATAATTTAGGCATGGTGGTT  
GGAAGATGCAAGTCTTCTGTTGTTACAAAAAACAGAATACGTAGAGTTATGAATCACCACACCATTCTAGTTT  
TAACTGGTGAAGAAGAAGGGTATAGTTTATTATCTTTGTAGTGTATTTGGTGTATTAAATGGTGGAAATGTGT  
ATATTGTGAAACGAACTATATATGATGAGATCCCAAATCAGAAATTCATGGTAGAGTAGCATTTGCTACCTGC  
CTAAGGTAAAGAGTAGCTTTAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_784 XM\_002884871|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2742, mRNA

TTGGAAAGTATATGGGCCTTTCAGATTCTACCTTTCTGTGTTGAAGGCTCTTAAGCATGCCTCTCTCAGATGTC  
TAAAGAAACTCGTTGTGGACTGGGTTCCAGCTGGAGATCTTGAAGATGCTACAGCTCAAGAGAATCCAGCTG  
CTCACAAGGCTGCATGGAAGCTGTTGAAGGGTGCAGATGGTATTCTAGTTCCTGGGGGTTTTGGCGATAGAG  
GAGTGGAAGGGAAAATCCTTGCATCGAAGTATGCTCGAGAAAACAAAGTTCCATTCCTCGGCATTTGCTTAGG  
AATGCAAAATGCTGTCTATTGAGTTTGCACGATCTGTTCTTAACTTGAAAGATGCTAACAGCACTGAATTTGATA  
CAAGCACGAAGAATCCATGTGTTATATTTATGCCTGAGGTTTCTAAAACACATATGGGTGGAACCATGCGCCT

TGATTCTAGGAGAACATATTTTCAGGTTATGGATTGCAAGTCTGCAAACTGTATGGGAATAAAAGTTACATT  
GATGAGAGACATAGACACAGATACGAGGTTAATCCTCATATGGTATCGCAGCTTGAAAATGCTGGACTCTCAT  
TCACTGGAAAAGGACGAAACGGGTCAGCGAATGGAGATCGTTGAGTTGGCTTGTCATCCATACTTCATTGGTGT  
TCAATTCATCCTGAATTTAAATCAAGACCAGGAAAACCTTCTGCATTATTCTTGGGACTCATAGCTGCATCGT  
GTGGCCAATTAGATTCTATCTTAAAAAGCTCCGAGAGTTGGAAGAAAACAGCGAAGAACGGGAGCGTTGAAG  
TCTCAACAATGAAATTATCCAGAAATGGTAACATGAAAATGACTGTGAATGGGCTATCTAATGATGCTTATTTT  
AATGGCAATGGATTGCACTACTGAAGGTGGACTTTTTTGTCTAGTCGTCCTGAGTGATTGCTGATCTTATGTG  
GTGATTATACCAGGATTGCCTGTACAGTCATCTGAGTTCGGATAGGTATAGGTTAAAGGTCTTTTATCAGGAA  
AGAGTTGTATCCCAATCTTTTATAAGGGGTCAACTGCTCCCAATATATAAATATTCCAGTACGGCGCTGTGTCTG  
AGCTTGTCTTTTCTTTGATTCCAGCTGTTACTATATTAGTGGACGACTGGAAGTAGAGGCTAGTTTGTCTTTA  
GGGTTGTGTCTGCCAGCTTTCTTTGTACCATCAGAATTTAGGCGGTAATATAACCATGTGTTTCATGTGTGGTTT  
AAAACATCTAATTTGTGTTGTGNAATTGTATGGATTCATGTCACTG

>trans\_c\_785 NM\_001052164|Oryza sativa Japonica Group Os02g0106700 (Os02g0106700)  
mRNA, complete cds

ACACTAATCTTGGTAATGTTCCACCCAGTTTAGGGTTGACATCTGGAGACGGCACTGATTGTATTCCTAAGAT  
TCAATGAATTCATCGAGTTGCCCTTCTGCGACCAAGTTGTTCCATCAGACGAACTTCAGCGGCATGCCAATGG  
TCACTTTGAGGACGGAGACAATGACAATAAACACGCCAACTTGCATGGACTTTGAGTTGGCCCAACAATTG  
GCTTTTTCTCTACTTCTTATGACAATGATGATAATAATGGGGACATGCCACAAGAGATTAAAGTTTGAGGGATC  
TTTGAGTAGCAACAGGTTAAGTTGTGAGACCGGCACTTTGGTGATGGGGGAGTTGACTGTTACTGAAAAGAT  
ATCATGCTTGATTGGTTCACAGAATAGGGGTGCCTTTTGAAGGTGGAAGGTGGCCTGATGTCTTTATAAAAA  
AATTGCTTAAAATTAGAATCTCATGACTCGACTAGTATTTTGTGAGGGAATGTTGATCATTATCAGAATATTGA  
GTTTGAGGATTTTGGGTGGGGCTGTAGATGGCGGAACATTCAAATGCTCTGCTCTATTGCTAATGCAAAGA  
CCAGAAACAAGAAACATTTTATTTGGTGGGTGAGGAGTTGTTCCAGATATTCCATCACTTCAGAGATGGCTTG  
AGATTGCTTGGGAAAGAGGATTTGATGTACATGGGGCAGAACATTTTAACTACAAAATTTATGGCAAAAAAA  
ATTGGATTGGAACCACTGAATGTGCTGCTCTTTTGCCTTCTTTGGGCTTCAGGCAAGGATAATTGATTTTGGT  
CCTAAAGAGTGTGAGGAACCTTATCTCTCAGTCCCTGGTTCAAGTAGTGGTGCACAAATGGTAAACCTAATCG  
ATGCAAATAAGAGAAAGACAATTAAGGTTTTTGGGCCCATGGATAAGTATCTTGTCCGTAAAAATGATAGTA  
TCCACAACTGGTTCTAGTGGGCATGAAAATTCCGTCTATTTTAGAATCCCTCAAATGTCACGAAAAATAAGT  
CCCCTAAAAAAGCAAAGGTCATCAAGTTCTAGTTGATTGGGTCTGGAATTACTTCTCTGATGGAAGGATATG  
CACAAACGGTCACCAACACGTTAATATTAGTGAAAAAACGCCATTGTTCTTTTCTGATGGAAGGATATG  
ACTATTGTGGGGATTCAAGTTAAACAGCAGTGAATGGAATGCGGCAATATAATCTCTGATTTTGGACCCAG  
CTCATAATACTAGAGGCCTTGAAAGGGCACTTAGAGAGAATATTGGATG

>trans\_c\_786 XM\_002311750|Populus trichocarpa SIN3 component, histone deacetylase complex  
(SNT901), mRNA

TGCATGAAGAAGGAAAGGAGTCTCATGTATTTTATGGAAATGACTCTTTTTATGTGCTTTTTAGGCTTCACCAA  
ACGCTGTATGAGAGAATACAATCTGCAAAGATCAACTCTTCATCCTCAGAGAGGAAATGGAGGGCCTCAAAT  
GATACAACCCCCACGGATCTTTATGCCAGGTTTCATGAATGCACTTTATAGTCTACTGGACGGTTCTCTGATAA  
CACAAAGTTTGAAGATGATTGCCGAGCTACTATTGGAACCCAGTCATATGTTCTGTTCACATTAGACAACTAA  
TTTATAAAATTGTCAAACAGCTTCAAACAGTTGCCTCAGATGAGATGGACAACAACTTCTCCAATATATGCG  
TATGAGAAAGTCGAGAAAAGTGGGAAGATTTGTTGATGCAGTTTATCATGAAAATGCTCGTGTAATTCTTCATG  
ATGATAATATCTATCGCATAGAACGATCATCAACTCTACTCATCTTTTCGATTACGCTTATGGACTATGGCTACG  
ATAAGCCTGAAGTAACGGCTGTTTCCATGGACCCCATTTTTTCGTCTTATCTGCATAATGACTTCTTCTCAGTTC



TCCCCGAGAAAAAAGTGAAGTCAGGGATCTTCTTGAAGAGAAACAAACGTAAATATGCCTGTGGCGATGAGA  
ATTCTGCTGCATGCCATGCTTTGGAAGGGCTTAAAATTGTTAATGGTCTGGAGTGCAAAATTGCATGCAATTC  
GTCAAAGGTTTCGTACGTTTTAGATACAGAAGACTTTTTATTTTCGTAGAAATAGCAAAAGGAAACGTTTGCAT  
GGAAATAGCTCATGCCACAACCAGTCAAGGTCTTCTAGTGGCGATTCAAGTAGGAGGGTAAAGAAGTTCCAC  
AAGCTACTTGAGAACTCATGATACACCAAACCATCAAGAAGTTGAGTTTTGAAGTAAATATGTAACTTTTAACG  
GAGGCACTGGGAACCTGAAAAATGCGAAGGTTGGGGCAATAGTGAAGCGGGTATTTTGCATTACCTTTACTC  
TATTAGTGTATTCTTATTTATATCTGAGCCTCACCATGAAAATAAGGCATTGGGAGGAGATATAGTGGTGCAT  
GGTTATTGCATTTACTTGAGTTTAGTGGCTCACACTGAGCCACATTTCTGTAAATAGGGTAAATTTTTATGATG  
TAAAGATTGTACTTTCTGGGTACACGATCATCTCTTTATTTTTCCTGCTCTTCTCAAATAGGAAAAAAAACA  
TCTCAAAGTTTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_787 NM\_105278|Arabidopsis thaliana translation initiation factor-related (AT1G66070)  
mRNA, complete cds

CACCCTCGTCTTCTCCTTCGTCAGATCGTCTTCGACGCCTCGTCTGCTCTCCCTCGTCTTCTCCTTCGTCAGTTTCG  
TCTACGACTCTACTCAGCCAACTTCTTCCGTTCTTCGTCTTCTCATTTCTTCTTCTCCTCCGATCTCCTCGTCCGT  
CAGCGATACGCTTCGTCCCTCTTCTGTTTCAGCTTTCGATTCGATTGCCATCGTAACAGGGTTGGGCGGCAC  
AGAGTTGAATTTCTAGTATTTTCTGAGTAGAACGTGATTCAAGTCAATGGATGACTGGGAGGATGAGAACATT  
CCACCACTCCAGAAGGAGCAGCCAAAAAATAAATGGGATGATGAGGATGTGGATGAAAACGATGTGAAGGA  
ATCCTGGGAGGATGAAGATGAACCTGCACCAGCTCCAGTAGTTAAACCTACTGAAGCTGCCCCAAAGAAACC  
AGCTTCAAAGCTACTGAGAAGAAAGGGAAAATTGTTGAGGTAGAACCTGAACGGCCTCTAGATCCATTAGC  
TGAGAACTTCGGCAACAAAGGCTAGTGAAGAAGCAGATTACAAGTCCACTACAGAATTGTTTAGAAAGAA  
AGGCGATGAGAAGACTCTTGATAATTTCAATCCAAAATCTGAGAGTGACTTCTTGAATATGCAGAGCTAATC  
TCTCATAACTTCGCCCCTATGAGAAAAAGTTTCCATTATATTAATCTGCTCAAAGATGCCATTAGACTATCGATG  
GTTTCTTTAAAGCAGCGGATGCAAAAGATGTTGCTTCTTCTATTACCGCCCTTGCAAATGAAAACTAAAGGC  
CGAGAAAGAAGCCAACACTGGTAAAAAGAAATCTGTGAAGAAGAAGCAGCTTCATGTTGAAAAGGCAGATG  
ATGACTTGATCGTCAATACTTATGATGATGTCGATGATTACGATTTTATGTAATTGCTCCAATTCAGTATCTATC  
TTGAGTCTCATCAGTTTTTACCTGCGAATGGTCAGATTATTTGGCATATCTTTCTCCTTTTTAATACAACAATA  
GATTGGTTCCTCGAGTGTCTGTCTAAATAAGGTTTATGTATTAGACTTGTGTATGGCATATTATTTATAAATTT  
TGGCCTATTACCAAATTTTCATTTTTATTTTGTTCATAGAAAGATGGTTAAGAGTCGCCCTTTGAGAATGTACA  
AGAACGAGTCGTCATTAACCTCAGTTGTCAAGTTTGTATGTCGTGAAAATGCTTCCTTCTATTAGAATGACATTT  
TCTTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_788 FJ719369|Gossypium hirsutum cultivar CRI12 NADPH:cytochrome P450 reductase  
(CPR2) mRNA, complete cds

CAGCATTGCTTGCAATTAGCAGCACATGCTTCAAATCCTATAGAGGCTGACCGATTGAGATATCTTGCATCACCT  
TCTGGGAAGGATGAATATTCCAGTCTGTGGTTGGTTGCCAGAAAAGCCTGCTTGAAGTCATGGCTGAATTC  
CTTCTGCCAAGCCTCCACTTGGTGTCTGCTTTGCAGCTGTTGCACCACGTTTACAGCCTCGATTCTACTCCATAT  
CATCATCTCCAAGGATGGCTCCATCTAGAATTCATGTTACTTGTGCTCTTGTCTATGACAAAATGCCAACTGGA  
CGTATTCATAAAGGAATCTGCTCTACTTGGATGAAGAATTCTGTGCCCATGGAGAAAAGTCACGAGTGCAGTT  
GGGCTCCAATTTTTGTGAGGCAATCGAACTTCAAGCTTCTTCAGATAGTAAAGTGCCTATTATCATGATTGGT  
CCTGGAACCTGGATTGGCTCCTTTCAGAGGTTTCTTACAGGAAAGATTAGCTTTGAAAGAATCTGGAGTAGAAT  
TGGGGCCTTCCATATTGTTCTTTGGATGCAGAAACCGTGCATGGATTATATATACGAGGATGAGCTGAACAA  
CTTTGTGCGAGGCTGGTGTCTCTCCGAGTTGGTTATCGCCTTCTCTCGTGAAGGGCCAACGAAAGAATACGTG  
CAACATAAAATGACAGAGAAGGCGTCAGACATCTGGAATTTGATATCACAAGGTGCTTACTTATACGTATGCG

>trans\_c\_789 NM\_001123777|Arabidopsis thaliana ACHT4 (ATYPICAL CYS HIS RICH THIOREDOXIN 4); oxidoreductase, acting on sulfur group of donors, disulfide as acceptor (ACHT4) mRNA, complete cds

>trans\_c\_790 NM\_001069529|Oryza sativa Japonica Group Os09g0363700 (Os09g0363700)  
mRNA, complete cds

TAGGCGCGAGAGAGAAAAACAGAGAATAAAGAATTTGGGCAGGGCCCCATCAGACGCTCTGTCCAATCTGTCA  
TTTCCGCCGCCGGCTCTCCTCTGTTTCAACCTTCCTTCTTTACATTTCATCTTCTCTGTTCTCTGGATTCCATCTC  
ATTTTCATACTGATTATGGCCGAATCCAAATCGAACCTTCGCCATCCTCTCTTTCTCCCGAAATGTTACAGATT  
GATGGATCGCTCGTGATACCAAGGAGACTCATGGAAGGCGTAATGACATTGACGAGAACACCCCGTTGGAT  
GAAGTCAAGGCGCCAAACGTGTTTGAGAGAATGAAAGAGGAGATTGAGGCGCTTGTCAAACGATCCAAGC  
AAAGGATGACTCTGTGGCAGCAGAGTCCAAAGAGGATAAAACAGACTCTCAATCAGATGGTTCAGTCATAGC  
AGCAAAAGTGTTTGGAAGAGCAAAGGATGAGATTGGGAAGATGTTGCACATTAATAAAACGAAGGAACTC  
ATGGCCAGCGTGATGACATAGGAGAGGATACCCCTTTAAATGAAGTCAAAGCTCCTAATTTATTAGAGCGTGC  
AGTGGAAGAATATGAGGCTTTTATGCAGACCATTAATTCTAAGAAAGAAATCTCAGACATCCGACAAAAGGGAT  
GAAAATGTTGCATCAATGCAGAAAGAAGCAATGCCTCTCTCAGAAATTAGTTCAAATTTGATAATTCCAATCAA  
TGAAGTGATGGGGCCAAATATTTTTGAGAGAGCCAAAGATGAAATGGAGGCACTTGTTTCATACCATCCATCCT

AAGAAGGAACTGATTCACTAGCCAAAGAAGGATTTCTTACAAAACCTCGGAAAATGTTTGGAATAATATGCT  
CTCCGTCGAAAGAGAAGGATAATTGAAAGAGAAGGATAAATAAGCCAAAGTTCTGCACAAGTCGGTATATT  
GCCTCATTTCTACAAGAAGAATTTCACTATCAAGTATAGTTTCTAAGCCTTTTCATCTGTATGTGTAATCCTTTTC  
ATCTGTATTTTCTCATTCTATATGCTTCTTTGAAATTCATCCACTTTTTCTTTCCCATTATTGTAATATAGGAAC  
TTGTACTTTTCCATTTTGGGAATTTGCAATTTGACAATCAAGTATATTTCACTACTGTAATTGTGTATCCTACAA  
TCAATTAAGCTGAAATTTGCAATTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_791 XM\_002866472|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata  
phosphoglycerate/bisphosphoglycerate mutase family protein, mRNA

AACGAATCGATGGTGGGCATTTCGCATTTGCGAACACTAAACGAAAATGAAAGATAAGGCTGGGACCAAAGG  
AATCTCCATCGACGAATTTTCCCAACACGCCGCTCCTCCGCCGTAGGCGTCCGCTAAAATGTACGCGTCTCTT  
CTCCGTTACGGTCGCAGCCCTTCTTGCCACACTTGCGTCACCAGCCCCATTGAAGCCCTCCCAATGCTTTCG  
AACTTCTATCAACCACCGCCATCTGATCACCCTCTACTCTGACTTTGACCCTTCTTTATCGATTTTACTCTG  
CCCTGTTCTTCTGATTCGGTTGCTGAAGCTCGTGGGTTGTTCAAATGCCCCCTGTTCTGTTGTAATCGGTAA  
TTTCACTAACCAGAATTTTTTCCCATTTTATTTGGCTTTTGGAGATGATGATAAAAGGGTTTGAGTATTGA  
TTGAACCCCTAGTTAATACACTAGAAAATTTTCGTTTCTGATGCTAATAGTCATCCAAATTTGTTTCAAATGTGT  
GTTTGATATGGGGATGAGAAGGTACTTTCTGGTGAGGGCAGGGGAGTCTGAATTTGATAGTTTGGTATAAT  
TAACACAAACCCAGTTGCAAAGACATCTGTTGATAGTGGATTGTCTGAGGAAGGGAAGAAGCAAACCTGTTAA  
AGCAGCTTTTAAGTTGAAGGAAATGGGAGCTTGTGAAAATGGTTGCTGGATTTGGCCCTCTATTACACAGCGA  
GCTTATCAAGCAGCAGAGATTATTGCTTCAGTTAATGGTGTGAATCGAAGTTACATAGTTCCTGAATACAGTTT  
TCTTGATGCCCGTGGGCTTGGAGCTTTTGAAGGCAAGAGATTGGATTCTTATCAGAAGTATATGCTTCAGAT  
ACAATCTCTCAAGTATCAAACCTCCTCCGATAGATGATGGCACCCCTAACGAGAGCGTATCTGATGTCTTCGT  
TCGTGTAACCTCAACTGATGTGCTGATTCTCGAAACCAATACTCAGGTGATACTATCATTATTGTCTCCCAGATTC  
TGATAATTTGACAGTTCTTCAAGCTGGTCTAATCGGTCTCGACTTGCGAAGGCACCATGATCTTTCCTTGTCTCC  
TGGGGAGGTTTCGTTTCGTTGACATACGCAGCATCCCTTCTTATAAGCAACCAGCTTCAGCTGTATATAAATGTT  
TAAACCTCCTAATTGTAATTGACATAGCATTCTTGATATATTGGCTATGAAATTATCACAAACCTCTAATTC  
TGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_792 NM\_115549|Arabidopsis thaliana aladin-related / adracalin-related (AT3G56900)  
mRNA, complete cds

TAATTTCAAACCTTCTCAGAAAGTTCTAAACAGTATCTAACTGGAAAATCCTCCTACGGACCCGAAAGAGTAG  
GCGGGAAAATCCGGTGGTCAATTCAAACAATCCAAGAACTTCGCCAGAAATCAGAAATCAGTTCTTGAGCTGAA  
TTGGGCAGGAATTTACTCATCTGATCCATTTAGGGCTTTGAATTTCCCTTACAATGCCTTCATTTCCCCCTCCTG  
GATCTGTTACCATCTGCGAAATCAATCGCGACCTCATTACTGCCGATTGCCTTCCGATGATCGGGCGAACGAT  
ACTTATGGGAAAGTCCTTGGTATGGTGTGTTAGTCCTGTTCCATTTCACTCCGATTTTTTGGTGTGCGCAACTCCC  
GAACCGAAGAATGAGCCTAGGAACGATGAAGCAAATGGGGAAATTATTCAACGGAAGGGTGTGATTGCATC  
TTTGCAGGGATTCATCGAGGGCTCCATCAACCGTTTTTTCGCTCCTAATGATGTAAAATACTTACCAACTGAAT  
ATCTTCAAGGAGTGAGTTGGCACCAGCACAAGCATATTATTGCATTATCTGGGACGAATCAAGTTGTTGT  
CCATGACTATGAAAATGCAGAAGGAAAAGACCTTGTATTTTGAACCATGACTTGCAAAGAGATGTTAAAGTT  
CTTGAGTGGAGACCAATGGCGGGAGGACTCTGTCTGTTGCATGCAAAGTGGAATTTGTATATGGGCTGCT  
TCTTCCCTGGAAATGCTGCTTCCGTGAGACCTGGTGTGTGTCTTCTTAGCATCATTCTCAAGAGGCTCCGG  
GGTTCGATATACACTAGTTGATTTTCTCCGAAGCCATGATGAACAGATTAGTGCCTGTGATGGAGTCCTAATG  
GAAGATATCTCGCATCTGCTACTTATGATAGCTTCTTTTACCATTGGGATGTGGCTCAAGGGTTGGGAACG

CCCATTAGGCGTGGATTAGGGTGTGTATCAACAATCAAGTGGTCACCTACTGGAGATTACTTTTTTCTGCTGCAAA  
ATTCGATGGAACATTTTATCTTTGGGAAACGAATGCATGGACATCTGAACAATGGTCTTCAACAAGTGGTTTTG  
TCACGGGAGCAATTTGGGATCCCGAAGGACGTATGATACTGCTTGCTTTCTCTGATTCTTCAGTATTGGGTTCA  
ATTCATTTGCGTCTAAGCCTCCGTCGTTAGTTGCACATCTGTTACCTGTTGACTTACCAGAGATTACTACTTTG  
ACAAACAGTCAAGGTATTGAGAAGATAGCATGGGATGCT

>trans\_c\_793 NM\_104342|Arabidopsis thaliana methyltransferase (AT1G54650) mRNA, complete cds

AGAATTTGATGGATTTTCTTCTTTGCACTTTTCTTGGAGAATTGCTTGATCTAGAAGCTTCAATTTGAAG  
AATTGAATGGGGGAAGCCGCCGAATATTTCTCAAAGACTTCCAATGGGACGATCTTGAATTCGGGTCAACG  
ACCCGAATTTGCAATACCATTTGCTTCCATTTGAGCCCTCCAATTCCATTCCGTCAGTTTCTCCAGAAGCCGATT  
CAAACCATGGAGTCGCTTTCACCTCCGTCATTCTCCGAAAAATCTTCAAGGAAAGGCGGTATTTGTTGAAG  
GAATTTCTGAACTAGTTTCTTGTAAAGATATTGTAAAGTTTTGGAGGTGGGTTGTGGTAATGGAAGCACCG  
TTATTCCAATCTTGCCTGGGAACGAGAACATCATTATCTATGCTTGTGATTGTAGCACGGAAACTCTTGAGAGA  
GCTAAAGACATTTTAAATGATGCTGGCTTTCATCTTTAAAAGATCGATTCCATCCATTCTATTGCGACTTTTCT  
ATTAGTAAGTTTCCAACATGGTTGGCCTGCAATTCATGCCGTGGAAACACTTTCCAACAGCAGCAGAGTTTAC  
TACTCCAGAGAATGATGGATCTCCGGCCACTGGTTCATTGCATTAGAAGAAAGTGGATGTTGCATTGGTGGG  
GTTGATTTTATTACTTTGATATTTACATTATCAGCAGTGCCTCTCCAGAGGATGCCAGCATCAATCAGAGAATG  
CTTTATGGTTTTGAAGCCTGGAGGCCTGCTCTTATTTCCGGGATTATGGTCTATATGATATGACAATGCTTCGAT  
TTGTGCAAGATCAAAGAGTTGGATTGAGGAGTATGTCAGATTAGATGGAACACGTTCTTATTTCTTCTGCTTA  
AATACCTTGAGAGATCTTTTGGCAATGCAGGCTTGTGAGCTCGAGCTGGAATATTGTTGTGTGAAGTCCTC  
AAATCGCCGAAATGGAAAGACAATGGAGAGGGTGTGGGTTTCATGGAAAATTCAGAAAGCCTGTCTAATGAAT  
CAAACAAGAGGCACAGAGCAACATTTGGCATTGATTATAAATTTCTTAAAGGTTGAAGAGGATGGATT  
AGTAACTCTTCAGGGTGTGTCATGAGCACACTGTGGGGGCCAGATCCCCTTCAAACCTTTGATTATACAAGAA  
AATGAATAAAAAAACTTCGATTCATCTTGAATTTGGATGAACTTTGAGGACTTTTTTTCTTCTTATAATTAGA  
GGAGTTTAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_794 NM\_119482|Arabidopsis thaliana DNA binding / transcription factor (AT4G33280) mRNA, complete cds

AGCGGCAGAGTACTTGGAAGAAGGAAAACTCATTGAGCTTCAACAATGGCCTTGGAGCGGGCATCTCCATT  
AACTTTTTCTCTGCCTCACTGACTTGTGTCATCACAACACGACTGGGCCTCTTCTCTTCAATCCCTTCTTCACTA  
CTTTGTTTGTCTCCAACTTTCCCACTGCGCGCCACCCCTTCTTCATTCATATCCCTAAATTACATCTGTGGCTC  
CGCAATCGGCAGCTGACCCAACCTTCTCTAGTCCCAATTTTCTGCTGTTCCGTTTCGATCTGTTTGTGTTAGTT  
TATTGAGTCTCTCCCTGGAGAAATGGATAAAGTAGGCGATAGTTCCAACAAATGGGCAGAGGATATTTATTGG  
AGCCATTTTCAGTTCACCCACTTCTATCAAATTCTTGCCGGTGGTTGTGAACAGCAACTTGTAAATCCGGACAA  
ATTTTCAAATAATTTGAAAAACAACTTCCCGCCACTGTGACTCTTAAAGGTCCTAGTGGTGCTACATGGGATG  
TGGGATTGTCAACCAGTGATGATAAATTGTGTTTCAAACGTGGATGGCAAGAGCTTGTGAAGGCTCATTATCT  
GGAGCAGAATGATCTTTTGGTTTTTAGATACAATGGAACGTCACAGTTTGATGTTTTGATATTTGATTGGAAGA  
GCTTTTGTGAGAAGGAAGCATCTTATTTGTAAAAATTTGTGAGAATAAAAAAATTGACAGCGGCCGCCAGGC  
TAAGAGGAAGCTTAGGGAACCCTCTTTGGATGGTTTTGATGTTAATATTAACAATGGTGCTGAATGTGATTCTT  
CTGAAAATATCATACATGATGACAGTATGGAACGTATGATACAGGACGTTGTGTCCAAAGCTACAAATTTTAA  
TGGTCAACCAGAGGTTTTTTCGGCCGAGCCTATACGAACAGTGCAGACTAGAAGAAAGAAAAAACTCCAAA  
TAATACAGCAATTATTTCCACCCCTGAACCTGTTTCAAGTTATCAGGTAGTTGGAGAAGAACTCTTAACTTTTA  
ATCCTTCATTCATATTGTTCCATGTTTTCTGCGGTTGACCTCAAACCTAGAGAATGAATAACTGTGCTTTAGAAT

TCTTGGCGATTATTAGGTTGTTATTATGTTATAGTGAATTTAACATGATGGTGGTGTGTTTCTGGTCTCGAC  
TGGAAAAGCATTTTTGAAATGTTTCTGTAGTCAGACCCAGTCTACTTGACCATTTTGGATTAGTAAGGAAAAC  
AGATCTGTGAATCAAAATGTCTATATGGTTTTG

>trans\_c\_795 NM\_001059884|Oryza sativa Japonica Group Os04g0524400 (Os04g0524400)  
mRNA, complete cds

CGAGGTGTGAGGCTTCTACGGATATGCTTGAGGCTGCTGAGGCAACCGGGATTTCGGGAAGTTTTCTTCATC  
GTTACTTGGACTTGCAGGGGTCAGGTTGGTTGTTAGGCTTCTTGATGAACTCCTGCTCCATGTTTCGTGACCGA  
ATGCTAGCAGATCCATCTTTCTTTTAAAGTCGGAACAGAGGTAGTAATCGATTCATGTTGTGCTACATTCGC  
TGAAGTTCAGAAAAGAGGAGAGAATTTCTGGGCAGAATTTGAGTTGATTGCTGCTGATCTATTGGTTGGTATT  
GTTGTTGACGTTGCTTTGGTTGGTATGTTAGCACCATATGCTCGTATAGGACAGCGACCTGTCTCAAGTGGCTT  
ATTGGGACAGATGCAACATGCTTATTCTTCTTCCCAGCAGTGTTTTGAAGCTGAAAGGCCGGGGTGTA  
TTCAGTGTGAAGCAACGAATTGCATCATATTTCTATAAGGGTGTCTTGTATGGCTCAGTGGGATTGGATGTG  
GTCTCGTTGGCCAGGGGATTGCTAATTTGATTATGAATGCAAAACGGTGTATAAAGAAATCAGATGAGGACG  
TGCCTGTGCCTCCTCTTATTCAGAGTGCTGCTCTCTGGGGTGTCTTCTTGCAGTATCTTCCAACACTCGTTATC  
AAATTGTGAACGCACTTGAGCAGATTGTGAAGCGTCGCCTTTGGGAAAGAAAAATCCACCTGTGGCAATGG  
CTTTTACAGTTGGTGTGAGGTTTGCCAAACAACATTTATGGTGGTATGCAGTTTGTGGATTGGGCAAGATGGAG  
TGGGGGTCAATAAATTTAACATGCTGCGTTATTTAGCCTTAGTCGTAAAAGAAAAAAGGTCCCTTAGTTTGGC  
GCCCTATAGTTGTAGCTTGATCTATGTAAGCTTAGGTTAGGAACTCAAATCCCTTTAAGGGGGCAGTCTTAG  
TGCGAATAGGATGTCAATTTTCTATGAGTATTCTTTGATAGTACTTAGGAGTTGGTAGGATCATCTTGGCTT  
TATTTATTGGATAATTTGAATGCATGGAAATTTGCAATACAGCCCACTCATGGTGGAGCTGGCAAATTCCTC  
CATTAGGACTTTTTATTTTCTCTCTTTTCTTCTCAATTGGGAGTCAATAATCTATTGTGAGATAGACAAATTA  
GATAATCTCTCTCTAATTAGATTTCAATAGAGAGACTTCGGCATGAAGAACCTCTCCAGGTGTAAATACATCT  
TTATTATTTTACTATCAGTATTTTATATACTAAGGTATGT

>trans\_c\_796 AF461148|Arabidopsis thaliana MAPEG-like protein mRNA, complete cds

ACCCAATCCATCTATGGCTTGGAGAAGAAGTTGCCGACTGTACTCCCTTACCAATAAGATCCCCATTCCATCTC  
CTTCATTCTCACCTCCTTCTCCCGCAATGGCCGCAATCCAGCTTCTCCCCTCAGAATATGGCTACGTCGTCCTC  
GTTCTTGTCTCTACTCCTTCTCAATTTCTGGATGGCCGGTCAGGTTCGGCCGCGCTCGCAAGAGGTATAAGGT  
CTTTTACCCTAATTTATACGCTCTTGAATCCGAGAACAAGGATGCCAACTCTTCAATTGTGTCCAGAGAGGGC  
ACCAAAATTCGCTAGAAATGATGCCTTTGTTCTTCATGCTTATGATTTTGGGAGGAATTGGGCATCCTTGCCTT  
AGCGCTTCTTTGGAATTCTCTATGTTGTGTCTCGATTCTTCTACTTCAAAGGTTACGCTACCGGTGTGCCTGAA  
AAGCGCCTCACCATCGGGAAATTTTCTTTTCTGGCATTGCTGGGGTTGATGGTTTGTACAATCTCGTTGGGTGT  
TAAGCTTCTTCGTACGTAAGCTTATAATCCTGTTGAGCTTGGGCTGATGTTTTAGTGTGTTCTTCATCTTCCTC  
GTTGCCTTGGACTTCAGTCTATGACTTTTGATTGTGTGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGTTATTAAGAGTTGA  
ATAACGGTTTTTTTTTTCCCTTCCTAATCTTTGTTATAGAAGTTGTAACTTTTTACTTTAAAAAAGAGTTGA  
AAAGTTATAGTAAATTTGAGACTTCTTTATCAAATGAAGTGTAACGTAATTTGTCTCTTAATTTAAGAGA  
GGCCTTTGAACTTCGTCATGTTCAATCCTATTTTCTTTGTAGTTATATATCTCTTTGCTCATTTGGAAGGTAGTG  
AATTGAGCTATACAAATGTTTTATCTGGATTCCCTAAAAAAGAGTTGTAACTTTTTACTTTAAAAAAGAGTTGA  
AAAAAAGAGTTGTAACTTTTTACTTTAAAAAAGAGTTGTAACTTTTTACTTTAAAAAAGAGTTGTAACTTTTTACTTT  
CCCCGCCCCCAAAAAATTTTTAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCGGGCACCCATTTCCCCCTATAGGG  
GGTCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCTTTTTAAACGGCGGGAGGGGAAAAACCCGGGGGTACCCAAT  
TTATTGCTTTGAGGAAATCCCCCTTTTCCCAGTGGGGGAAAAAAGGCCCCCCCATTCGCCTTCCC  
CAACATTTGCCCCCTTGAAAGGAAAAGG

>trans\_c\_797 NM\_001063131|Oryza sativa Japonica Group Os06g0112800 (Os06g0112800)  
mRNA, partial cds

TTCCATTTAGGGTTTCTTAGGATTTTCATTGTTTTGGTCCTATTTGATAATCATTGGATTGGTTTTAGGTTTTG  
AAAATTAATCTTATAAACACTATTTCTTCAATCAAGTTTCATGGTTTTGTTATCCACTTTTTACTTATGTTTTTAA  
ATTCAATCTAATTTTAAAAAACCAAAAAAGGTAATTTTAAAAATCATGTTTAAAGAATGAACTGAGTGAAAA  
TAAGCATAAATTTGAAAACCATAAAACAAAACAGCAAAATCATTGTCAAATGGGCCAAAGCTTTTTATTTGGG  
ATTTATCACTGTGAATGTGTAAATTATGATAAGAATTTCTCAGGCTCGAGGTGGCATTGCTTCTTATTATCTAC  
ATTGCGTATGGGTATTCAGAAGGAGGTGCAAGTACTTTTGTTTTACTTACTCTCAGCAGTTGGTTCCTCGTAAT  
TTCGTGGCTCTTTGCTCCTTACATCTTCAATCCATCTGGTTTTGAGTGGCAAAGACTGTGGAGGATTTTGACG  
ATTGGACTAGCTGGCTATTCTACAAAGGGGGAGTAGGGGTAAAGGGAGAAAACAGTTGGGAGTCATGGTGG  
GATGAGGAACAGGCACATATTCAAACCTTCAGAGGTCTGAATACTGGAGACAATTTTGACCGTGAGGTTCTTCA  
TATTTCAATTTGGAATTGTGTACAAGCTCCATCTCACAGGAAAGGACACATCACTTGCCTCTATGGTTTTTCGT  
GGGTGGTGCTCGTTGGGATTGTTTTGATATTCAAGATTTTCACCTCAGCCCTAAAAATCGACGAACTTCCAG  
CTATTGATGAGATTCATTGAGGTGTCACAGCCATTGTTCTGGTTACAGCTCTTGGTCTAATTGTTGGCTTCACT  
AACCTATCAATAACCGATTTATTTGCAAGTCTTCTAGCATTTATTCCTACTGGATGGGCCATATTATGTCTTGCA  
GTTACTTGGAAGAAAGTGGTGAGAAGTCTAGGTTTGTGGGACTCGGTACGTGAATTTGCCAGGATGTATGAT  
GCAGGGATGGGATTAATAATTTGTGCCGATCGCATTCTTATCCTGGTTTCCTTTCATTTCCACGTTCCAATCT  
CGTCTGCTCTTCAATCAAGCTTTCAGCCGTGGGCTCGAGATCTCCCTCATCCTTGCTGGAAACAAAGCTAACAT  
CGAGACATAGTGATTTTACTAGAGAAGAACTCATTGCCAGTAATGTAGATAGATATAGTGGTGTACACTTTAA  
TTTTCTGTATCGTAAATTCATTTCTGAGTT

>trans\_c\_798 NM\_118970|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein  
(AT4G28300) mRNA, complete cds

AACCCATATCCAGCATGCCAGACCCAATATCAACAACCTCAAGATGTTTCTCGGTTGCCATCACACATGACTA  
ATTCCCAGCTAAGTCAAACCTCCACCACCACAACAATTCATCAGTATCAACAACAATGGACGCCACTGCAGCA  
GCAGCAGCAGCCACCCCAACAGGTACAACCACCACAACAACAGCCTTCTATGCAACAACCTCAGATCAGGCCA  
CCGCCTACTTCAGTCTACTCTTCTTATTCTATGAATCAACCGACTTCTATGCCAGAGACTCTTCAAACAGCATG  
CCTATGCAGTTGTCAATTTTACCTATTCCTCAGCCGGGTTCAAGCCGTATAGACACTGTCCCATATGGATACGTT  
GGAAGTGGTGTTACTGTGTCCAGCAACCACCTCAAGTCAAAAATGCTTTTGTATCACAAGCTGGAGAAGGTT  
ATTTACCTTCTGGACCGCAATCTGCACTTTCCTCGGGAGCTTCATATATGATGTACGATAGGGAAAGTGGAAG  
ACCGCCACACCATCCTCCCCAACCTCAACAACCACCACACCATCCTCCCCAACCCCAACAATCACACTTCAACCA  
AAGTGGATACCCTCCAGCCAATGGATCTATTGAGTTTCTCAGCATCCATCGGGCCCCCAGGTTGTCGCTAGGA  
ATCCGAACCATCCGCATTATATGCGCAACCAAAACCAAAACCACCTTATGGTGAAATAGTTGAGAACTGGT  
CGGCATGGGTTTTAGGAGTGACCAGTTGCTAGTGTAATTCATAGAATGGAGGAGAGCGGCCAACCTGTTGA  
CTTCAACGCTGTTCTAGATGGGTTGAGTAATTCCGGAGGTCCTCAGCGGGTATGGTGACGGTAATTTTAGTAG  
CAAAGTCGCTGTTTGTGTCAGTTGAAGCTTCGTATCGGCCATGACCAGCCTAGCCATTGCTACTTTTTAAT  
GCATTGAATAAAAGACTGGTTTTTAGGATTCCATTGTGTTTTCCCTCCCGTATATAATGTTATATGGTTTGC  
GATACAAAAGAAGTCGACTGTATTTTATGTTTAAAGTTTAAACGTTGTATGAATATCTTCTACCCTCATTCTCTA  
ATCTTACCAGATGATTATCTCTTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_799 XM\_002882957|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GDSL-motif lipase/hydrolase family  
protein, mRNA

ACAGCGCTAAAGGAGATGGATTCCATTATTAGCAAAGTGTTGGTGGTGGTCTTTGCATTTTTGCTTGGGAGTG  
GAAATGCTCAAGATTCTACCACTTTGGTGCCTGCTATCATCACTTTTGGCGATTCTGCCGTTGATGTGGGAAAT  
AATAACTACCTTTACACTATTTACAAGGCCAACTACCCACCATATGGAAAGGACTTCGCGAATCATCAGCCAC  
TGGCAGGTTTTGTAATGGAAAACCTGCAACTGATTTCACTGCTCAAACCTTTAGGATTCAAAACCTTTCCATTGC  
CGTACCTTAGCCAGAGGCATCGGGTAAGAATCTTCTCATCGGAGTCAACTTGCCTCAGCTGCATCTGGTTAT  
GATGAGAATGCTGCCCTCTTAAATCATGCACTCTCACTGCCCCAACAAAGTTGGATTCTTCAAGGAGTACCAGGC  
CAAGCTAGCTAAGGTAGCTGGTAACGAAAAAGCTGCATCCATAATCAAGGATGCACTCTACTTGCTAAGTGCA  
GGAAGTGGAGATTTTCTACAAAACCTATTACATCAATCCTTACATTAATAAGGTCTACACTCCTGATCAGTACGG  
GACGATGCTCATCGGAGCATTTACAACCTTTATTAAGGACATATATGGTTTGGGAGCTAGGAGAATTGGCGTG  
ACTTCACTTCTCCATTAGGTTGCTTTCCTGCTGCTCTCACCTATTTGGGAACCACCAAAGTGGATGTGTCTCA  
AGGATTAATACCGACGCGCAAGCCTTCAACAAGAAAGTTAAATGCTGCTGCAGAAAGCTTGAAAAACAACCTC  
CAGGTTTTAGAAATTGTCATCTTCGACATTTACAAACCACTCTACGATGTCATCAGTTCTCCATCCAAAAATGGCT  
TTGTGGAAGCCAGAAAAGGCTGCTGTGGAACAGGGACAGTAGAGACAACATCACTTTTGTGCAATCCCAAAT  
CCTTGGGTGGAACCTTGCTCTAATTCAACTCAATATGTGTTTTGGGATAGTGTTTCATCCTTCTGAGGCTGCTAAT  
CAAGTTCTTGCTGATGCCTTGATCCTCCAGGGATTGCTCTCCTCTAGATCACTAACTTCATATAAATGATCTC  
CAATCCAAAAATTTGTACTGTGTTTTATTTATGTATCTGAGAAAAATTGGTCTATGTATTGATATTATTAAGTAC  
ATGTGATCATTCTGTTATATTGTAAGTTTATTTGTTAGGTACGAAAATTGGGTTAGCTTGCAGATTCTATGAT  
TTATTAATAATTTATATTTAGCCAAAAA

>trans\_c\_800 FJ917288|Physcomitrella patens CLF protein mRNA, complete cds

AGATACATTCTCAACCAAAGGGTTGGATCAGCAGCAAATTGATCTGATTTCAAGGATAAGATACATTGCATAT  
GAATGTTTAAGAGACCAAGTTGGAGGTCCAATTATATTGTCCTCCATTCCCCAAATCGAACTCGGTAAACGAAT  
TAGGGGAAAAGAGAGGGTCAGAAGGAAGGGTACAGGAAAACGTATAAGGAAGGAGGACCATTTGCAATAT  
AATGCAATTAGTGAAGATGATCACTCTCATTTTTGTGATTCTGCCATTGAGGTTGATCAATTACAACCTCCATCAG  
ATGAACAGATCTGGAACATCCGGAGTTATGTTCTGTTGACTCGGAGGTTGATCATTTACCGCTGATTCATGAA  
GTTGATGAGGATGATAGTATGCAGTTATGTGAGGCCAACATAGGGGTTGACCATTCTGACATGATACATAATG  
CTGCTGGGGGAAATATGGCTGAGTTAACCCTGCTGATATTAACTTGATGAAGCTGAGCTATGCGTCGCACC  
TAAGGATGTTGATGACCTGCATTTATCTGATACTATCAATGAAGTTACAAATACCCACATTTGTGGTGCAATGG  
ATACTGGTGATCCACCGCATTTTATCTACATCTAAGGAAGCCAATTATCATTAAACCGAGGATGTTAATATGCC  
AAAGTTTCAGGCACAGGTAACAATGTTGACAATTGAGAGCTTTGCCATGGCACTATTTAAAGCTCTCCTCAAA  
CAGGAGAACTAGCTGCTGAGATTATTTAGAGTCATCATTTGTTGTACCTCACGAGGATATAATGCACAAAGG  
AAATAACAATATTTACATAAAACAAAGATGAATATGCAGCACCCCAAGGCTAGTGCTTAAATTTTTTAAGCTG  
TCTGATGACCTTGGGATGTAAATCTTTGTACTGCATATTGGTAGGTTAAGATACTACATTTTTTGGCCATCA  
ATCGTATTTGAGTACACATGGAATTAATTGAAGCAAGTAGGATAGCCCAAAGGAAACAAACGTTTGCTACCA  
CTACTGTCTGAAGAACTGCAATAAACAGATGGTCCATTTAGATGTCAATTTCTGCCAATTTTGCTGATCATT  
CAGGAGTGTTTGATTCCCTTTGATGGTTTCTAATAACTCACCCCAAATATTTATATTATAAACCCATAAAATAGA  
CTCGAGTGTTCTTATTTGATTCTTCAGTTCTTCTCGTCTATGGCGACTTCAGATCCTACCACAAAGAAAAAT  
GAAAAACGTAAAGGGCCAAAGGGCCAAATGGCCAA

>trans\_c\_801 FJ362593|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L13A (RPL13aB) mRNA, complete cds

TCGACGGTAGCCGCTCGAGGCTTTTGCACAGACAAACATTAAGAAGATGGTGTCCGGTTCGGGTATCTGTGCT  
AAGCGCGTCGTCGTTGACGCCAGGCATCACATGTTGGGAAGGCTCTCTTCCATTATTGCCAAAGAGCTTCTCA  
ATGGTCAGAAAGTTGTGGTCGTCCGGTGCGAGGAGATTTGCATCTCCGGTGGATTGGTCCGCCAAAAAATGA  
AGTACATGCGTTTCTTGAGGAAGCGAATGAACACCAAGCCTTCTCATGGACCCATTCACTTCCGTGCTCCCGCT

AAGATCCTTTGGCGCACCATTTCGTGGGATGATTCCCATAAACTAAGCGTGGTGCGGCGGCGCTTGCCCGTT  
TGAAGGCGTACGAGGGTGTTCCTCCTCCGTACGATAAGATGAAGAGGATGGTCATCCCTGATGCCCTCAAGG  
TCTTGAGGCTTCAAGCTGGACATAAGTATTGCTTATTAGGCAGACTCTCTTCGAGGTTGGATGGAACCACTA  
TGATACCATCAAGGAAGCTTGAAGGGAAGAGAAAGGAAAGATCCCAGGCTGCATATGAGAGAAAGAAGCAGT  
TAAATAAGCTGAGGATTAAGGCCGAGAAGGTTGCTGAGGAGAAGCTTGGCCCCCACTTGAAGTTATTGCTC  
CTATCAAATACTGATTTGTGATTTTGATCTCAGAATCAGGGATACTGGAGAATTGAGTTGCAGTGGGATTTTCT  
CTTTTAATTTTATAACCTTTTATCTCTTTTATAGTAGACCATGATACATCTCTGTATGCTTCTAGATTTTCTAAG  
TCAAGTCAAGTTTTTGATACATTTTGTATGCATATCCAGTAGATTACGATGCCTGTTTTAAACCAAGCAAAA  
ATGTTTTGATTACTTATTTGTTATTTATATTTTCAAGTTTGTATGACATTTTTTTTTGAGAAATGATAAAAACACA  
CAACAATCTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCC  
CCCCCAAAATTTTTTAAAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCATTTCCCCCAAAAGGGGGTCTA  
ATTACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAAACCCGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTTAACCC  
CTTGGGAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_802 DQ068452|Arachis hypogaea mitogen-activated protein kinase 1 mRNA, complete  
cds

ATAACTTTTTACAACAAAAAGGAAGAAGAAGAACAACAACAACAAGGGCTGCGCCAAACATTTTT  
ATAAGCAGGAACGGTCAGATCATCAGATCCATTCCATTTTTTTTTTTTTTCAACTTTGATCCAAATTAAGCTCTA  
GGGTTTTTCTAATTTTTACATTCTGTTTCGTTAAAACACCAATCAATTTGAACCTCCACCTCAATTTAATGGACG  
ACGGAGGAGCTTCTCAGCCGGACGACACCGTCATGTCGGAGGCGGCGTCTGTACCTCCACCGCAGCATGACC  
CGGCGGCGCAACAGCAACATCAACATCAGCCGCCGTCGATGGGGATGGAAAATATTCCGGCGACTTTGAGCC  
ATGGAGGGAGATTTATTCAGTATAATATATTTGGTAACATCTTTGAAGTTACGGCCAAGTACAAGCCTCCTATT  
ATGCCTATTGGCAAAGGCGCTTACGGCATCGTCTGTTCTGCTCTCAACTCTGAGACGAACGAGCATGTGGCGA  
TTAAGAAGATTGCTAATGCGTTTGATAACAAGATCGATGCCAAGAGAACTCTTCGTGAGATCAAGCTTCTTCG  
GCATATGGATCATGAAAACGTTGTTGCGATCAGGGATATCATACCTCCGCCTTAAGGGAAACATTTAATGAT  
GTTTATATCGCATATGAGCTAATGGATACCGACCTTCATCAATAATTCGTTCAAACCAAGCATTATCAGAGGA  
GCATTGTCAGTATTTCTGTACCAGATACTTCGTGGATTGAAGTACATACATTCGGCTAATGTTCTGCACAGAG  
ATTTGAAACCTTCCAATCTGCTATTAATGCAAACCTGTGACCTGAAAATATGCGATTTCCGACTTGCTCGTGTT  
ACTTCTGAAACTGACTTCATGACAGAATATGTGGTTACTAGATGGTACCGTGCACCAGAGCTCTTACTTAATTC  
ATCTGATTACACCGCAGCTATTGATGTCTGGTCTGTTGGTTGTATTTTATGGAACCTAATGGATCGGAAGCCCT  
TGTTTCCTGGTCGTGATCATGTGCATCAGTTACACTTGCTTTTGGAGCTGATTGGCACTCCATCAGAGGCTGAT  
CTTGTTTTTTGAACGAGAATGCTAAAAGATACATACGGCAATTACCTTATTACCACCGTCAATCATTACCGA  
AAAGTTTCCACATGTCCATCCTGCAGCCATTGATCTGGTGGAGAAGATGCTAACATTTGATCCAGGACAGAGA  
ATTACCGTTGAAGACGCTCTAGCTCATCCCTATTTGA

>trans\_c\_803 FN552256|Citrus clementina mRNA for aconitate hydratase 2 (aco2 gene)

TGGCACGCAGCCCTAAGTCTCTATTCCCTCCTCCCAATCTCCACACGCCCTTTCTTTCTCCCTCTCCCTGAGAA  
CGACGACCACCACCTCCATTTCTTCTTCATTTTCACTCTCCCCATACCTTTCTTTTATCCTCATCCTGTTCAATC  
TAGTGTATTGCCGACATGTTCAAAAGTACTTATGAATCAATTACAAAAGGAAACCCAATGTGGAACCAACTTT  
CAGTACCTGATGGCACCTGTACTCGTGGGACCCCAAGTCCACCTATATTCATGAACCACCTACTTCAAGAAT  
ATGACCATGGACCCTCCAGGAGCACATGGCGTTAAGGATGCTTACTGCCTCTTGAACCTTTGGAGATAGCATCA  
CTACAGATCACATTTCCCCTGCAGGAAGCATCCACAAGGACAGCCCTGCAGCAAAATACCTTCTTGAGCGTGG  
AGTGGACCGCAAGGATTTTAATTCTTATGGAAGTAGGCGAGGCAATGATGAGGTGATGGCAAGGGGTACTTT



TGCCAACATCCGTCTTGTTAAACAAGCTTCTAAATGGTGAAGTAGGCCCAAGACCGTTCATATCCCCTGGAG  
AGAACTTTATGTCTTCGATGCAGCAGAAAGATACAAGTCAGCTGGTCAAGACACCATTGTGCTGGCTGGAGC  
TGAGTATGGAAGTGGAAGCTCTCGGGATTGGGCTGCCAAGGGCCCAATGTTGTTGGGCGTTAAAGCTGTTAT  
TGCAAAAAGCTTTGAGAGAATTCATCGTAGTAACCTGGTGGAATGGGTATCATTCCACTGTGTTTCAAGGCG  
GGTGAGGATGCCGATTCACTCGGATTGACTGGTCATGAGCGTTACTCAATTGACCTCCAAGCAACATCAGCG  
AGATAAGGCCTGGCCAAGACGTGACTGTCACCACTGATTCTGGCAAATCTTTCACCTGTACGGTGCGCTTCGA  
CACTGAGGTGGAGCTGGCCTATTTCAACCACGGAGGTATCCTTCCATACGTTATTCGAAATCTCATTAAAGCAAT  
GAGGAACATGTGTGGAGTTTTCTGTTTAGCAGCATCAGCAGGAGGGGGCTTGGGCGTGAACCCGTCCTTTTC  
TTATCCCCATTTTCGTTAATAAGGAAATAGAAAATCCCTGATGGGACTCAATTTTTTTGAATAGAGAGCGATC  
TATAAGCAGCAGGTTAGCCTGTCTAAGAACTGGCGAGGTTGTATTTATTTCAATTGTATCGATTATTTTCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_804 NM\_104129|Arabidopsis thaliana hydrolase, alpha/beta fold family protein  
(AT1G52510) mRNA, complete cds

ATGGAGGCAATGCCAGGGCCGTGCTCTCTCAGCCCCTCAGCTTGCCGTCACCTTATCCACTCTCTTCCCTTTCC  
GCCTCCACGAGATCGTACTGCTACTTCACTGCTGTCAACCACGAGAATCAGACCGGCATCTGCTGCCTGAAGAA  
TCATAGCCGGTGCCAAGGGAAAAGACGAAATGAACGATGGCGATGCTGATTCAACCGGGTTCAACCCGTTTG  
GGTTCGTCCTGACAATCCGTCAAGCCGAAGTGCGATTCAACTTCCTGAGAGCCCGGTGAGGATGGCAATGT  
CGGCCAGATGCTCTATAGAATAGAGGACAAGGGAAAGGAATATGGCTCTTACGTAAAATCTGGGAAATTAAG  
ATGGTTTGTTAGAGAGACTGGGTCTGCCAAAAGCCGACGGGGAACTATAGTCTTCTTCATGGCGCTCCAACA  
CAATCTTATAGCTATCAAGTTGTTATGTCTGAGTTGGCTGCTTTTGGATTCCACTGCTTTGCTCCTGATTGGATA  
GGATTGCGTTTCAGTGACAAACCGCAACCAGGATATGGCTTTAATTATACAGAGAAAGAGTACCTCGAGGCA  
CTCGACAAACTACTTGATGTGCTCGGTATCAACACACCCTTAATCTAGTGATTCAAGGGTTTTCTGGTGGGATC  
ATATGGATTAACATGGGCTTTGAAAATCAGAGCAGGATATCAAAGATATCCATTCTAAACAGTCCATTAACG  
GTTTCTTCTCCTGTTCTGGGTTGTTTCAACAGCTAAGGATCCCTCTGTTTGGTGAATTTACATGCCAGAATGCA  
GTTATGGCCGAACGTTTTATTGAAGCAGGTAGCGCATACGTATTAAAGCTGGAAAAGGCCGATGTTTATAGAC  
TTCCATACTTGTCTAGTGGAGGACCTGGTTTTGCTTTACTTGAAGCAACAAGAAAAGCTAATTTCAATGATATC  
TTAAGTCGGATAACTGCTGGCTTTGCTTCTGAAAGATGGGACAAACCAAGTCTTGTTCTTTGGGGCCTTTCAGA  
CAAGTATCTTCTCAGTCCATTGCCGAAGAGTTTCAAAAACAGAACTCGACAACAATCCAACCTCAAGTTAATTG  
AAGGAGCTGGCCATATGCCCAAGAGGACTGGCCGAGAAGGTCATTGAGGCTTTGCGGTGCTTTTTCTGAA  
ACTTTACAGGAGAATTTGCGTTGCCATCTCGAGATTCTTGGTAACTCTAATGTGCATAAATGTAGTTATTTTGT  
ATGTATCTACATTAATGGTTCATCACTACTCGTACATGAAA

>trans\_c\_805 EU016718|Acorus americanus NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 2  
(ndhB) gene, partial cds; chloroplast

CTTGGCTCTGAGGGGCTGGGCACGGGGGTCCCAGTCCCGAACCCGTCGGCTGTGCGGTGGACACGAGGGGAG  
TTTCAGAATGTATCCTAATTTTTGGCCTAATTCTTCTCTGATGATCGATTAACTCTGATCACCCCTCGCGCAA  
GGTTGGCGCGGGACGAGAGGACCACCTTTTAATAATGAGCATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGA  
ACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTATTTTACTATGT  
TCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTGTTATTC  
GTATTAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTATGCGGTGCTAATGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCTAGA  
ATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTATGA  
AATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGTTCTTCTATTCTGTTTATGGTTTCTTTGGCTATATGGTTTATCCGGGG  
GAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTAAATGGTCTTCTCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATT

GCCTCGCGCTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCTAGCCCCCTTTCATCAATGGACTCCTGACGT  
ATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAAGTAGCTGCTTTAGCTTTAGCCAC  
TCGAATTTTCGATATTCCTTTTATTTCTCATCAAACGAATGGCATCTTCTTCTGGAAATCCTAGCTATTCTTAGC  
ATGATATTGGGGAATCTCATTGCTATTACTCAAACAAGCATGAAACGTATGCTTGCATTCGTCATCGGTCA  
AATCGGATATGTATAATAACCTTATTAACAACCTCTGAGTTTACCACCTTATGCAAGCATGATAACTTATATGCT  
CTTCTATATCGCCATGAATCTAGGAACTTTGCTTGCATTGTATCATTTGGTCTACGTACCGGAACTGATAACAT  
TCGAGATTATGCAGGATTATACATAAAAGATCCTCTTTTGGCTCTCTCTTTAGCCCTATGTCTCTTATCCTTAGG  
AGGTCTTCTCCACTAGCAGGTTTTTTCGGAAAACCTTATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATT  
TCTTGGTTTCAATAGGACTACTT

>trans\_c\_806 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AACCTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGGAAGTTATAGACACCTTTCCTTATTTTGTGTCTGGAGTACTTCACTTAA  
TTTCTCCGCAGTATTGGGTTTTGGCGGTATTTATCATGCACTTCTGGGACCCGAGACCCTGAAGAATCTTTTC  
CATTCTTCGGTTATGTTTGGAAAGATAGAAATAAAATGACTACCATTTTGGGTATTCACTTAATTTTGTAGGTA  
TAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAAGCTCTTTATTTTGGGGGTGTATATGATACCTGGGCCCCGGGGGGGGG  
AGATGTAAGAAAAATTACCAACTTGACCCTTAGCCCAAGTGTTATATTGGTTATTTACTAAAATCTCCTTTTGG  
CGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAGTTGGGGGACATGTATGGTTAGGTTCCAT  
TTGTATACTTGGTGAATTTGGCATACTTAACTAAACCCCTTTCATGGGCTCGCCGCGCACTTGTATGGTCTG  
GAGAAGCTTACTTGTCTTATAGTTTAGGTGCTTTATCTGTTTTTGGTTTTATTGCTTGTGTTTTGTCTGGTTCAA  
TAATACTGCTTATCCGAGTGAGTTTTACGGGCCGACTGGACCAGAAGCTTCTCAAGCTCAAGCATTTACTTTTC  
TAGTTAGAGACCAACGTCTTGGAGCTAACGTTGGATCCGCTCAAGGACCTACTGGTTTAGGTAAATATCTAAT  
GCGTTCTCCGACTGGAGAAGTCATTTTTGGGGGAGAGACTATGCGTTTTTGGGATCTGCGTGCTCCTTGGTTA  
GAACCACTAAGGGGTCCTAATGGTTTGGACTTGAGTAGACTGAAAAAGACATCCAACCTTGGCAAGAACGA  
CGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCTCCTTTAGGTTCTTTAAATTCCGTGGGGGGCGTAGCTACCGAAATTA  
TGCAGTCAATTATGTCTCTCCTAGAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATTTTGTCTAGGATTCTTCCTATTCGTAGG  
TCAGGGCGTTACGTACTTCCTTTAGATGTACTAGTAATACTTCGGGTAAAGGAATTGATCGTGATTTTGAAC  
CTGTTCTGTTTCTGACTCCTCTTAACTGAGACAGGCGATCTAATGCTTGAAGTCAAAATCAATTGGATTCCACC  
ATACATATCAGGTTGGACAGATCGGGTTATATTTTAAAGTCCTCCTTTTCTTTCTTCACTTCTATCTAATCTT  
TTTTCTGTTTTGGCTCGGCTCGAATCTC

>trans\_c\_807 NM\_001059702|Oryza sativa Japonica Group Os04g0490800 (Os04g0490800)  
mRNA, complete cds

AAGGCGCTACAGAAAAGAAAAAGGTAAACAGATATGCTGAGCAGAACAAGCACAGCGGCTTCTATTCACTC  
ATTGTTGCTTCTTCAACAAATGCATCCAAATCCTTTTCCAATTTGAACCGCAACATCCCAGATTCTTGGGTTTC  
AACCATTTTTCTCCTAATTTACCCGATTGTTCTGTTCTGGGTATGTGAGTTTTGGATGGAATACTAGCTCCAAC  
AGGAAGTTTAAACAGGTCTAGAATGGATGGATTTGCTGTTCTGCTGCTCAGCCACTTCAAATGCTGATG  
AACTCATTGATTCAGTTGAGACCTTCATTTTCGATTGTGATGGGGTTATATGGAAAGGAGACAAGCTTATAGA  
TGGAGTTCCAGAAACCCTTGATATGCTTCGATCAAAGGGAAAGCGATTAGTTTTTGTACCAACAATTCAACG  
AAGTCCAGGAAGCAGTATGGCAAAAAGTTGAAACACTTGGTCTTAATGTCACTGAGGAAGAAATTTTGCAT  
CATCTTTTGTCTGCCGCTGCATATTTGAAGTCCATTGATTTCCAAAAGAGAAGAAGATATATGTGATTGGTGAG  
GAAGGCATTTTGAAGAAGTTGAACTCGCTGGATATCAGTACCTTGGTGGACCGGAGGATGGTGGTAAGAAA  
ATAGAACTAAAGCCGGGATTTCTGATGGAGCACGATGAGGATGTGGGAGCTGTTGTGGTTGGATTTGATCGA  
TACTTTAACTACTACAAAGTGCAGTATGGAACACTCTGCATACGAGAAAATCCTGGCTGCCTCTTCATTGCAAC  
TAATCGTGATGCTGTCACTCATCTGACAGATGCGCAAGAGTGGGCAGGTGGTGGTTCAATGGTTGGTGCTCTT

TGTGGATCGACCACACGTGAGCCATTAGTTGTTGGGAAGCCCTCAACTTTCATGATGGACTACTTAGCAAACA  
AGTTTGGGATTGAGAAGTCACAAATATGCATGGTTGGAGATAGATTAGATACCGATATTCTGTTTGGACAGAA  
TGGTGGGTGCAAGACTCTTCTGTTTATCAGGTGTTACAAGCTTGTCAAACTTCAAAGTCCCAACAACTCCA  
TTCAACCAGATTTCTACACCAACAAGATTTAGATTTCTCTCACTCAAAGCTGCCACTGTATGAGATGACCCAT  
CATGTATAAGGCTATTTGTTTTCTTCTCAATTCTGTAATGCAACCAAATTATCACTTTCACAAATATTTGAAT  
ACAGAATTATATGTGAAAAATGGGTTATGGATTTGTAC

>trans\_c\_808 NM\_120408|Arabidopsis thaliana ADK2 (ADENOSINE KINASE 2); adenosine kinase/  
copper ion binding / kinase (ADK2) mRNA, complete cds

TAACAGGGACTCTCCTCTCTTCTCAGTGACCTTCCAACTGCATTTATTCGCCTCTCTTCTTCCGTTAACCCGT  
TCACTCTTCTTTCTTTCTTCTCCTTATTACCTTCTAAATCTTCTCTAATGGCGTACGAGAAGATCATTTTG  
GGAATGGGCAATCCCCTGCTCGACATCTCCGCCGTCGTCGACGACGCTTCTTGCAGAAATATGATATCAAGTT  
AAACAATGCTATCCTTGCCGAAGAGAAGCATTTGCCGATGTACGAGGAAATGGCTGCTAAAGATAACGTGGA  
ATATATTGCAGGAGGTGCCACTCAGAATTCATTAAAGTTGCTCAGTGGATGCTTCAAATTCCTGGTGCTACTA  
GTTACATCGGTTCCATTGGAAAGGACAAATTTGGGGAGGAAATGAAGAAAACTCAAAGCTTGCCGGTGTCA  
ATGTACAATATTATGAGGATGAACTACTCCCACTGGTACATGTGCCGTCTGTGTTGTAGGTGGTGAGAGGTC  
ACTTGTTGCTAACTTGTGAGCCGCAAACTGTTACAAAAGTGAAGCGACCTGAAAAGTGGGCACTT  
GTGGAGCAGGCAAAATACTTCTATATTGCTGGATTTTTCTGACGGTTTCCCAGAATCCATCCAAGTCTGTTGC  
TGCTCATGCTGCCGCAAAACAAGGTCTTCAGCATGAATCTTCTGCTCCTTTCATTTGTGAATTCCTCAGAGA  
TGTGCAGGAGAAAGCTCTGCCGTACATGGATTATGTGTTTGAAACGAAACAGAAGCAAGAACCTTCTCTAA  
AGTTCATGGATGGGAGACCGACAATATTGAGGAGATTGCCATAAAGATTTCCAGTGGCCAAAAGCATCAGG  
AACACGCAAGAGAATCACCGTCATCACTCAAGGTGCTGATCCTGTGGTGGTTGCTGAAGATGGGAAGGCAAA  
ATTATCCCTGTTATTTTATTGCCTAAGGAGAAGTTGGTTGACACCAATGGGGCAGGAGATGCATTTGTTGGG  
GGATTCTTATCTCAACTGGTTCAAGAGAAGCCATTGAAGACTGTGTGAAAGCTGGTTGCTATGCATCTAATG  
TGATAATCCAAAGGTCCGGCTGCACATACCCGAGAAACCCGACTTCAATTAGACAGCTTTGGTATAATGCAA  
GATTATCAAATCCTTCCCTCCATGCTAGAGCAGCAGCAATTTTACCTCATCCTCTCCAATACTTTAATTATGG  
AAAGTCTCCATCCATATATTCATTCTAAATCCATC

>trans\_c\_809 XM\_002864257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium ion binding protein, mRNA

ACCATTTCAATTCACGCTGGTGGGGGTTTTGTTAATTTACATCCGGACTCAGGAAGATCAAGAAGAATGAGA  
AGAGATAAGAAGATGAAAGGAAGAATTTCTATGATTGGGAGTTATGCCATTGCATCCTCCATCAAAGACCACC  
ACCATCAACGCCCTTCCATTACCTGCACCACCTTTAATATTCTCGCTCCCATTTACAACCGTCTCAATCAACAGG  
ATCCAGTTGTGCGGAAAGCGATTACAGGACATACTGGCTAGCCAGAAATCAGAGAATTCTGGATTAGCTCTT  
GTATGAGAAATCTTCCATTATCTGCCTTCAGGAATTCTGGGTTGGAAACCAAGAAGCTTGTAATATATATGAAA  
ACAGACTTGGCAACGCCGTTATATCAATTTCAAGCTTGTCTCGGACAAACAACCGCGGCGATGGTTTGTGAC  
TGCGGTGCATAAGGATTATTCAGAGTGGTGAAGTACCGAGAACTACTATTTAACGATTGTGGAGACCGCGTC  
GCGCAACTATTACAGTTGAACTAGCAGTTCCATTTTCCATTGCCGAAACAATGATATTCGTGAGGAAATCT  
CATCGTCAAACTCACTTGTTATTTCTCACGATTCTAGTCTTGTCTTGTCCGTTTGAATCAGGTATACAAAATT  
CTGCAATACGTTGAATCTTATCAGAAAGAAAACAACTCAATCCCATGCCATCATACTTTGCGGTGACTGGAA  
TGGAAGCAAACGTGGACATGTGTACAAGTTTCTTAGTTCGAGGGGTTGTATCCTCATATGACACAGCTCAT  
CAATACACAGATGCAGATTCACGCAAGTGGGTGAGTACCGCAATCATCGGGGAAACATTTGTGGGGTTGAC  
TTCATATGGCTTTTAAATCCAAACGGATACAGAAAATTGCTAAAAACAAGCTGGAGTGAGGCTATTTTTGGCA  
TGTTCAAGTATCTGCTCCGAAGAGCTTCACTGACAGAAGATGATGCATTTGCCTTTCTGAAGGCGGACAATGA  
TGGTGACTATATAACCTACTCTGGTTTCTGTGAGGGACTTCGACAGCTCAATTTGACCGGACATCTCCATGGCC

TTAGTGTTGAAGAGATAAACGACTTGTGGGTACAAGCAGATAGGGATGGAAATCGCATTCTTGATCATAATG  
AATTTAGAGAAATTTGGAATCCACGGGGACAGAGGAGAGGGATGAAAAAGCAACGATGTTGAACCAAAG  
GAAAATCAAGAGCAAACGATTGGTTTTAGTGTTGAAAATGC

>trans\_c\_810 NM\_001056067 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0244000 (Os03g0244000)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTGATGATGATGACGACAGGCAGTTGGATGAGTGGTGGGTCCGTAGTA  
GAGCAGAGGCAGCCAGTAACGGATATCCAAAATCCTGGAATGCGTGGTGAAGCTTTGTAGCTTTGAAACAAA  
CCACAGCTTCAAGTGTTTTCTTTAGGAATTGGGACTGAGACTGACTTTCTTTTTCTTTCTGATTCGGAGCTCTCA  
CAAGCAAAGGAATCGAGTCCAAGGAATTCAGAAATGACAGTAGCACCTTCGCTTTCCCGCTCCATTCTCCATT  
TCTGTATTGTCTTCTCAAGCCAACCTCATCTACCTCTTTATCAGTCACATTCTCTGGAAATCAACGATCGCCACCA  
TCATATCCACGCATCAGAGCAATAGATCTTGACCAAACATGGTTCCTTATTTGTCTAATCTCGTGATTTTTCAT  
TCAAATAGTATTCTGGCTAACTTATTCTTTCCCAATTGAAAATGAAGAAAGAAGTACCTTTTGTTCAGGTGG  
TGGCACTTTCAGTTGGGCTGGTGAGTGTTGCAGTTGGAATAGGTATTCCCGTCTTCTACGAAACCCAAATTGA  
TAATGCTGTAAGAGTTCTTCACCTGTTCTTCAAGTCTATGCCAGTAACTGGGTTTTCGTTCATTTCCAGCTCA  
TAATCCATGTGTTTGTGTTGTAGGCAAAGCGTGAAAATACTCAGCCCTGCTTCCCTGTAGTGGTTCAGGAGC  
ACGTAAGTTAATTTGGTGTTTCAGAGTATATCTTTGTTTCATGAAATGATTTGAGGATATAGTTCTCCATCGTT  
CTAAATTGTAGCACGGGGAATTCTCTCGTCTTCTCCAATAGTATTATATCCTTTGGTGTGCAAAACAAAACT  
ACTTTTTTCATAACACATTACAAGGATGAGATTGTATAACTTAGAATGGTCAAGTAGTCACATTTGATATATAC  
AGTTATTCGCATGAAATTTTGAGTTTGTGGCCTCACTACATAAACTGATCCGTTGCTTAATCTGTAAAATTTTA  
AATAATGCCACATAGATTGAACGGGAGCTTTCACTCCAAATTATGTAACTTAAACCCTCGAAATGTAGTAA  
ATAAAATATGAAATGTGATTATCTAGAAAGGAGCTCTTCTAGGACAAAATGCATATTCATATTTACTATTTAG  
AAACAAATGAATGGCGAGTGGGTTGTATTGTGAACTACAAACCCTAGGTCGGAATGAATAATTCGTCCAC  
AGAGAGATGCAGATTTTGCATGGGAA

>trans\_c\_811 DQ665867 | *Boehmeria nivea* caffeic acid O-methyltransferase (COMT) mRNA,  
complete cds

ACAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAACAATGTCGTGGGCGGTGAGCGATGATGAGGAAGAAGCCCA  
GCTATTCGCCATGCAACTGGCTAGCGCATCGGTGCTTCCGATGGTGCTGAAGACGGCGATTGAGCTGGATTTG  
CTGGAGATCATTGGGAGAGGCGGGGAGGGGGCTCTGTTATCCCCGTCCCAAATCGCTTCCCAACTATCTGGG  
CTTAAAAACCCTGAGGCCACGTGATGCTTGACCGCATGTTGCGCCTGCTGGCCAGCTACTCCATCCTCACTTG  
CTCTCTCAATCCCCTCCCCGATGGCTCCCTCCAGAGGCTTTACGGTCTCGCCCCTGTCTCCAAGTTCTTGATCAA  
GAATCAAGACGGCGTCTCTATTGCCCTCTTTGTCTCATGAATCAAGACAAGGTCCTCATGGAGAGCTGGTAC  
CATTTGAAAGATGCTGTGCTCGAAGGAGGGATTCTTTCAACAGAGCCTACGGAATAAGTGCCTTCGAATACC  
ACGGAACAGATCCCAGATTCAACAAGGTGTTTAAACAAGGGAATGTCCGACCATTCCACCATTACCATGAAGAA  
GATTCTGGAGACCTACAAAGGGTTTGAAGGCCTTAATTCTGTGGTGGATGTGCGGGGAGGCACCGGAGCCGT  
ACTCAACATGATTGTTTCCAAGTACCCCTCTATTAGAGGAATCAACTTCGACCTCCCTCATGTCATTGAGGATGC  
CCCTCCCTACCCAGGCGTGGAACATGTTGGGGGTGACATGTTTGTGAGCGTTCCAAAGGGGGATGCCATTTTC  
ATGAAGTGGATCTGCCACGATTGGAGCGACCACCTGCCTCAAATTCTTGAAGAATTGCTACGATGCGTTGC  
CGGAGCACGGCAAGGTGATTGTGGCTGAATGCATTCTTCCCGTAGCACCCGACGCCAGCCTCGCCACCAAAG  
GAGTCATTCACATCGACCTCATAATGCTGGCTCACAACCCCGGAGGCAAAGAAAGGACCGAGAAAGAGTTTC  
AAGCCTTGTGAAAGCTGCAGGATTTCTTGGTTTTAAGGTCCACTGCTGTGCTTTTAACTTATGTCATGGAA  
TTTCTCAAGACACCTTAGATTTATTACTCCGCCCTCTCCCATGCATTATGGGGTTTTTCTTTTCTATCAATAAT

GCACCTTTTGTGGCCATATACATTGGAGTTTTCCAGCATTTATATCATATTTTACGAAGGTTGCCTTGTTGGAA  
ATTGGAATTTTAATCATTAAATAGCACCTCATTATTACCTCTT

>trans\_c\_812 XM\_002887268|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

AGAGCGATGATTAATGAAAAGAAGAAAGGGTGGATCGGAGCACGGGAGGAGGAGATGGAAGAATCAAG  
ATTACAGTTAAGAGCTGGGAGACAGAGGAAAACCGGTGGTGGTAATTGGAATTTGATAAAATTATTTGGAG  
GACCACAATTCCAATTTGGGCAATTTGGAGTCAAAAAAGCATTTCTTTGTCTACCACCAAACCGCCGCTATCC  
TTGTCGCTTTCTTTACTCTTCTCTTCTCTTCTGCCGTAGGCCTAGACGACGACGACGACGACGACGACTTG  
GACTGAACAATAACTATGTGGCAAAGAACTTGGCCACATCGCTCCGATGCCTCTCCTTTCTCTTCTTTCTCTC  
TCCAAACTCAAAGGCAAAGCTGCGATTACGTGGACGATCACCACCACGCCGACCCCGACGAAGAAGACGTT  
GATGCTCATCACTTCTCTCGCCACACCCCTTTCCAATTCCAAGTCCACTAAGTTCACCCACACGGTCCACCCCTCTC  
CATCTACCTCTTCCTCCTCTCAAACGCCTTTCTGGGTGCGACCCTCCTCATTACCTCCCCACGATTTCTCTGCCTT  
GCCTTACGACGTTCTCATCAAAATCGCCGCCTCTTCAATCTCCCTAATCTACGTGCTGCGTCTTTTGTGTAA  
GGCTTGGTTCGAGGCCTTCAGACCTTTGAGGGAGGCTATGCTATTTCTCCGATGGGGAAAGCGCTTTAAGCAT  
GGCCGAGGTGGGGTTCGACCCAATTCTGACAAGGCTCTTAATTCCTTTCTTAAGGGTGCCGCTCGTGGCTCCA  
CCCTTGCTATGGTTGATGCCGACTTCTCTACTGGGAGATGGGCAGCAAATACGAGGCTATTGCCTTGACCA  
GAAGGCTGCCGACCTAGGCGATCCTTCTGCCAAGTGCAATTTAGGAATCTCCTTTTTGCATGCAAACCGCCA  
AATCCAAGTGAAGCTGTAAATGGTTGCGACAAGCATCCATGGTTGGCAACGTTGAGCTCAATACCAACTTG  
CTCTGTGTCTACAGCAGGGTAATGGGGTGGATCGGAATGTACAGGAAGCTGTGGTTTTCAAAGCCGCTGAA  
GGGGGATATGTGCGTGCCATGTGCAATCTTCTCTGTGCTATTCTTGCAGGTGAAGGCTGGTACACAACCATC  
AGCAGGCTAAGAAGTGGATGAAGCGGGCAGCTGATCGTGGTCATAGTAAAGCTCAATTTGAGCATGGACTCC  
ATCTCTTTTCTGAAAGAGACATGATGAAAGCTGTAGTCTAC

>trans\_c\_813 EF690362|Malus hupehensis sucrose non-fermenting-1-related protein kinase 1  
mRNA, complete cds

AGCTGTGGTGTGATTTTGTACGCTCTTCTATGTGGCACTCTCCTTTTGACGATGAAAACATTCCCAACCTATTC  
AAGAAAATAAAGGGTGAATCTATACACTTCCAAGTCATTTATCATCTGGTGCTAGAGAACTGATTCCTAGTAT  
GCTGGTGGTTGACCCAATGAAGCGCATCACGATCCCCGAGATTCGCCAGCACCCATGGTTTCAGGCTCATCTT  
CCACGCTATTTGGCCGTGCCTCCACCTGATACAATGCAACAGGCAAAAAAGATTGATGAAGACATTCTTCAG  
GAGGTTGTAAAGATGGGATTTGACAGGAACAGCTGGTGGAGTCTCTTCGTAACCGAATTCAAATGAGGCT  
ACTGTTGCTTATTATTTGTTGCTGGACAACCGGTTCCGTGTTTCTAGTGGCTATCTTGGAGCTGAGTTTCAGGA  
GACTATGGAACTGGATTCAACCGTATGCACCCTGGTGATCCTACAAATCCTGCTGTAGGACACCGTCTTCCTG  
GATATATGGATTATCAAGGAATGGGCTTAAGGTCACAGTTTCTGTTGAGAGGAAGTGGGCTCTGGGATTAC  
AGTCTCGAGCTCATCTCGTGAAATTATGACTGAAGTTCTTAAGGCCCTACGGGAGCTTAATGTGGCTTGAA  
GAAGATTGGGCACTACAATATGAAATGTAGATGGCTACCTGGAATTCCAGGCCATCATGAAGGCATGATCAA  
CAACCCTGTGCATAGTAATCATTACTTTGGGGACGAGTCTACCATCATTGAAAACGACGGCGTTGTAAATCG  
CCGAATGTTATTAAGTTCGAAGTACAGCTGTACAAAACACGCGAAGAGAAGTATTTGCTTGATCTACAGAGGG  
TTCAAGGCCCCCAGTTTCTTTTCTGGATCTTTGTGCTGCCTTCCTTGCCAGCTTCGAGTCCTCTAAAAAGCAC  
ATAATTTCAACTCATGAGATGATGAGCTTGTGAATGAAGATTTACATGCATAACTTATTTATCATCTTACAGA  
ATCTTAGTTCTTCTCCCTCTTTAGATGGATAGTTCACTTGTGTAAATCTGATTTTCGGTAGTAGAAGTTGTC  
GATCTCGGCATCCAATATTGATTGGTGATGCCGTTACCTTGCCCCTCTTCATTACCAACAAAAAGGAAAAAA  
AAATCTATTTAACTTCTTATGAAGTGTGTAATTTAAAGACATTCTCTCGTGTTTCATATCTCTTCGCTTGCCGT  
TACAAAAA

>trans\_c\_814 AY973013|Gurania tubulosa 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTCCACCAACTAAGAGTAATTGCATGTTGTTGTTTGCAGATCAAGAAAGAGCTCTCAGTCTGTCAATCCTTAC  
TATGTCTGGACCTGGTAAGTTTCCCCGTGTTGGGTCAAATTAAGCCGCAGGCTCCACTCCTGGTGGTGCCCTTC  
CGTCAATTCCTTTAAGTTTCAGCCTTGCGACCATACTCCCCCGGAACCCAAAGACTTTGATTTCTCATAAGGTG  
CTGGCGGAGTCCTTAAAGCAACATCCGCCAATCCCTGGTCGGCATCGTTTATGGTTGACTAGGACGGTATCTG  
ATCGTCTTCGAGCCCCCAACTTTCTGTTCTTGATTAATGAAAACATCCTTGGCAAATGCTTTCGCAGTTGTTCTGTC  
TTTCATAAATCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCC  
GATCCCGAAGGCCAACAGAATAGGATCGAAATCCTATGATGTTATCCCATGCTAATGTATACAGAGCGTAGGC  
TTGCTTTGAGCACTCTAATTTCTCAAAGTAACAGCGCCGGAGGCACGACCCGGCCAGTTAAGGCCAGGAGCG  
CATCGCCGGCAGAAGGGACGAGCCGACCGGTGCTCACCATAGGCGGACCGATCGACCCAACCCAAGGTCCA  
ACTACGAGCTTTTAACTGCAACAACCTAAATATACGCTATTGGAGCTGGAATTACCGCGGCTGCTGGCACCA  
GACTTGCCCTCCAATTGATCCTCGTTAAGGGATTAGATTGTACTCATTCCAATTACCAGACTCGAAGAGCCCCG  
GTATTGTTATTTATTGTCACTACCTCCCCGTGTCAGGATTGGGTAATTTGCGCGCCTGCTGCCTTCCTTGGATGT  
GGTAGCCGTTTCTCAGGCTCCCTCTCCGGAATCGAACCCTAATTCTCCGTCACCCGTCACCACCATAGTAGGCC  
ACTATCCTACCATCGAAAGTTGATAGGGCAGAAATTTGAATGATGCGTCGCCGGCAGCATGGCCGTGCGATCC  
GTCGAGTTATCATGAATCATCAGAGCAACGGGCAGAGCCCGCGTCGACCTTTTATCTAATAAATGCATCCCTTC  
CAGAAGTCGGGGTTTGTTCACGTATTAGCTCTAGAATTACTACGGTTATCCGAGTAGCAGATACCATCAAAC  
AAACTATAACTGATTTAATGAGCCATTTCGCAGTTTCACAGTCTGAATTAGTTCATACTTACACATGCATGGCTTA  
ATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAG

>trans\_c\_815 NM\_001050946|Oryza sativa Japonica Group Os01g0775600 (Os01g0775600)  
mRNA, complete cds

ATTTTCATTTTCGTACCGCGCAAGTCCAAGACGAAGAGGGCCGATTGAGAGATCGAACTCCATGAACTTCT  
TCCTCCTCATCGCAACGCCCACTCCCGAATCGTACTCCTCTCCTTCTCCTCCGCTCCGCTCTCTTAACTTAGCCT  
CTCAATCACTTCAACTCCTTTATTTCTCGCCGGCCGACGACCAATCATGGACGTCGATCCTCGCCACTACGACA  
ACATCGCTGTGAACGATGGTGATATCCAGAACATTGTTCTATCGTACCTTGTTATAATTGTTATAAAGAACT  
GCAGAGTCGTTCACTACCTGTACTGGGCTTAAGCAGCACACGGATTATCTCGTCGACATGGCAAAAAGAAAAA  
GAATTTATGATTTTGCAGTAGAAGGGAATGCACTTAAGGCCATTGAGTTAACGGAGGAGGTGGCACCTGGTC  
TACTTGAGAAGAATGAGGACCTTCATTTTGATCTTTTAAGCCTTCATTTTGTGAACTGTTTGCTCAAGGAAAT  
GCACAGAGGCCCTGGAATTTGCTCAGGTCAAGCTTGCTCCTTTTGGGAAGTTGCATAAATACGTGGAAAACT  
TGAAGATTTTCATGGCCCTCCTTGCCTATGAAGAACCAGAGAAGTCTCCAATGTTTCATCTGCTTAGCGTGGATT  
ACCGGCAAAGAGTAGCAGAAAGTCTAAATCGAGCAATTCTTGACATGGAAATTTGCCGAGCTATACAGCAAT  
GGAAAGGCTGATAAAGCAGGTGACTGTAGTTAGACAGTCCTTGAGCCAAGAGCTGGGCAAGGATGGGTTTC  
AATCATTTTCTTTGAGGGATTTTCTGAAAAGCTGATCCAAAGAGTTCGCTTAGGCTTACAGCACTGAGATACAA  
CCAGCTCCAAATCTTGTTGCCACCATGGCTGGGTATGGAAGATTGTTGCTCTCTTCACATGCCTTCGGTGCCTT  
GTAGGCCAAAAACCGAGTCATCTAGGTCCCTCGAGCAAAAGTTCGTTTCTTTTCAGTTTGGTGACCTCGTTGTG  
CCAGTGGCTTGCTTGATTGTGATTGTACATGCTGTCTCTAATTTTGTGCTTGCCCTATTTTCCCCCTTTTTTAT  
TTTTCAAATTTTAAATGTATGGAGAAATTGGCTAACATTATTTGTCTCATAGTCATGGTACGGTTTTGGCACG  
GAGGAACTCTACTTGTGTTGATCTGCGATATGGTCGGATGTGAGCTTTGTTGTCAATGTATCTAAGGAGCA  
ATATTTGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_816 GQ303359|Arabidopsis thaliana ureidoglycine aminohydrolase (ylbA) mRNA,  
complete cds

ACTTCAGTTCGATCATCGTTCAACAAATTGAATCAGAATCCAAAGATAATAATCCTATCTCTTTCGATATGTGG  
AGCTTCTCAACATATTCCTATGGACCATCTCTCCTCATTCTCTTCACTACTTCAAGTTTGCTCGGATTTGCTTTTG

GTGGAGAAGGGTTTTGTTCTGCACCATCTATTGTCGACTCGGATGCTGATTGGAAGGCTTTGTATTACAAAGT  
GACCAATCCTACTCTTTCACCTTCTCATCTGCAAGACTTACCTGGCTTCACACGAAGTGTTTACAAAAGGGATC  
ATGCCTTGATAACCCAGAAAGTCAGGTGTTTAGTCCTTACCAGATTGGACTAATACATTGGGTGCATATTTA  
ATCACACCGGCCATTGGTTCACATTTTGTGATGTATCTTGCTCAGATGAAAGAAAAATCTAAATCAGGATTGCC  
CCCTACCGATGTTGAGAGGTTTTTATTTGTCATTCAAGGAGCAGCGAAACTTACCAATTCGTCTGGCATTACTG  
AAAAACTCACAGTCGATTCATTTGCTTATCTACCTCAAATTTGATCATTCCGTCATGTCTGACTCTCCGCTAC  
ACTTGTGGTATTTGAGAGAAGGTATGCTTCTCTAGTGGATCATCACACTAAGCAGATTGTTGGCTCAACAGAC  
AAGCAACCCCTCCGTGAAACTCCTGGTGAGGTCTTCAACTTAGGAAGCTCCTCCCATGTCCATGCCTTATGA  
CTTCAACGTCCACATCATGGATTTGGAACCTGGAGAATTTCTTAATGTGAAGGAGGTTTATTATAATCAGCATG  
GTTTGTGCTCTTAGAGGGTCAGGGTATTTATCGTTTGGGCGACTGCTGGGACCCTGTTCAATCTGGTGATGC  
CATTTGGATGGCTCCCTTTGTACCACAATGGTATGCTGCGCTTGGGAAAACACGAAGTCGCTATCTGCTGTACA  
AGGATATGAACCGAAACCCACTTGATCACAAGTAATATGCTGTTGCAACCTATCATATTTCTATGTGGTAGGA  
TTTAATTTAGATCGTTCAAATGAAAGTAGTGCATGTCACTTTGTAGACCCCTTGGTCGTTTGTATTTGGAATA  
ACATAATACACTGCAATTTTACAATCCACTTAGTTTTACTTTCTAGATTTATTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAANAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_817 AY045587|Arabidopsis thaliana At1g12310/F5O11\_2 mRNA, complete cds

ATATCCTTCATTATTTTTCAATATTTTAAATCTAAAGATAAAAGAGAGAGAGAGACACACAAATAATAATAAT  
TAATTAGTTAATTTTTAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAAACATTTCTCCCATTTCTCAGGTGAGCGTCAAA  
GGGCAAAGGAAAAAGAGAGAAAAAGAGAGAAATTAGAGCTCTTTGAAGATTCAAACCTAAATCGAAACCGGAG  
ATGGGGAAAGATCTGAGCGATGATCAGAAATCCTCCATGAGGGAGGCCTTACCCTCTTCGATACCGACGGC  
GATGGCCGGATCGACCATCCGAGCTCGGTATTCTAATGCGTTCCCTCGGCGGAACCCCACTCAAGCCCAAC  
TCAAAGCCATTATCGCCGAGGAGAATCTCACTTCTCCTTTTGATTTCAATCGCTTTCTTGATATCATGTCCAAGC  
ACATGAAACCTGAGCCCTTCGATCGCCAGCTTCGCGATGCCTTTAAGGTTCTCGATAAGGACAATACCGGCTTT  
GTCCGTGTGTCCGAGCTCCGACACATTTTGACGAGTATAGGTGAGAAGCTTGAGCCCTCCGAGTTTCATGAGT  
GGATTGAGAAAGTTGAGGTTGGATCCGATGGAAGTATTCGGTATGAGGATTTTATTGCTCGAATGGTGGCTA  
AATGAGAAGGGAAGTAATAATGCAAAATTGGTTTTCTGTGCTTTTACTCTAATGGATTTCTTAAGTAATTTGTG  
GTGATCTTTGTTGTTGTTCTTTCTTTCTTTTCCCCTTTTCCAATTTCTGTTAATTGGTTTCAGATTACAAGA  
CTTGTTGGATTTTGGTGGGATGGATGCGGTTGATGTTTCGCATACTTTCCCAAGTAATGCTAATATTATTTGGA  
AAGATTTAGGATTATGAATGAGTTGTGTCTGGATGGATTTTCGAGGTGATTGAAAACCTGTGGTTTTCTGGGTA  
ACTTAGAATTTGGTGATTTGTATGTGTTTCTAGTTTGAAGTGCCAAACAAAATGAGTAGATTCTCCACGATT  
TATTGTCTTGCAATGGCTGATATGTCTTGGGTGTCTCTAAGTTAGAGAGATTGAAATGGTTTCTTTGTTTATCTT  
GTAAGATTTGAACAATTAATTAATCTTCTTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCC  
CCCCCCCCAAAACCTTTTCAATCCCCCCCACCCCCG

>trans\_c\_818 BT024491|Arabidopsis thaliana At3g15110 mRNA, complete cds

AGTGAACATTTTGGCGCAGTGAAGAAAAGTTCTTCTCTCTTCCCCTATCCCATCTCCCATATTTGCAGACATA  
GCATAGCAATCAATCCACCAAAACCCATAACCCATATCCATCATCATCCATTAAACCTCCTCAAATGTGGCAC  
ACCCAGAACCTTCTCTCTCCAATTTACCTCTTTTCACTCTCTCTCTCCAACCTACAATCATAAACTCTTTCTCTC  
TCCTCCAACAACCTCTCATCTCTTCATAGACCCATCACCTTCCATTCTATTTCTCCACTCACAACCCACCGTTGG  
TTTTGTTTACCCCAATTCAGTACCTTGCAGATGCCACTTTTCTTGATGATAATGGCCCTGTTGAACTCCCGCCC  
ACCATTTTTCGACCACTGATAACCTTCTCTCTTCAAGTTGCTACCAGTGTTCTTCTTACAGGGGCCATCTCC

GTCTTCCTCTTCGTTCCCTCCGCCGCCGTGCTAAGCGGGTCAAAGAGCTGAAATTTAGATCTGCTGGAGTAAA  
AAAGTCTCTGAAGGAGGAAGCAATGGACAGTTTGAAAGCAATTAGTACAGGTCCAATTGCATCGAAGTCAAC  
ACCTTCACCTATACAAGCATTCTTGGGAGCAATAGCAGCTGGTGTATTGCACTAATTTATATAAATTCACCAC  
TACCATTGAAGCTGCTCTGAACAGACAGACGGTGTCTGATAACTTCTCGGTTGACAACCTGACGATAACGATA  
AGAACTATCGTGAACGGACTATGCTACCTTGCAACATTTGTTTTCGGAATTAATGCGATTGGTTTATTCCTTTAC  
TCTGGTCAGTTGGCCATGAATTCTGTTATGGAAGAAGGTTCCAAAGATAAAGAACCTAAAGCTAAAAGGGAT  
GAGCAAGTTAGCCCGCCAACCTCAACAGCTGAAACGACCCTCAATAGCACTGAATCAAGCAACAGCAAGGAT  
GATCAAAGTTCAAGTAATTTGTAGTAGTAGAAGAGAACCCTCTCTGATCAAACCTTGGCTGTGTTGGCAGCCA  
TTTGTAAGGTGATCTGCTCGGATTTAGTCATGCATTTTCATGTCATCTGTGATAATTATATTGGTAATTGTACCT  
GCAAAAATATATTTCTGCTTTGCTAATAGCCTAACACAAAATCTTGGATGAACGATGTATAGAAGGTTGCATAC  
CAATTTTTTCCAAAAAAGAAAAAATATTCTTA  
GAGAGATTCAAATCACAAAACCTAC

>trans\_c\_819 XM\_002891220|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin interaction motif-  
containing protein, mRNA

AATGCTGTAATAGCAACTTTAAGTGTGCCTGGAAACAGCGTTGTAGGATCTGGACACATAGCAGAAAATGAG  
ACAAATGCATTTGAAGGTCTTTCAATAGAATCAGGCTTGATTTGCAGAAAGTGCTGAGAGTCACCACATGCA  
CATCAAAGGAAAGTGCAATTACAGAGGCTCAGTGCAGCTCTTCTGTCTTCCAGAGTCGTATGGGTGCCTTGCT  
GTTCTGATTTCTGCTTTACTTTACGAGGACTGGATATGGTACAAGCTGACAGGGATGATCCAAGCCTCCCTC  
TTGTCACTGCTCCATTTGGTCATGCTTACAGGAGATTGTGAACCTGCTGCTTTGTGGACAAGCCGTTCCAAAT  
GTGTTTGATGGAAAGATGGACTTAGGTGGTGGAAATGTCCCTAAAAGGCATATCAAAAAGTGGAAGTTGGA  
TTCCTAACTCTGTTGGAATCTCTCAATTTCTGTAAGGTTGGCCAATATCTTAAATGCCCAAAATGGCCAATATG  
GGTGGTTGGAAGTGAGTCGCACTACACTGTTCTCTTCGCTTTCGATACTTCTGTACAGGATGAGAATGAACTG  
GAAGAAAGGGAGTCACAAATAAGGAAGGCATTTGATGGCCAAGACCAGAGTGGAAGGTGGTGGTTTCATCA  
GTGTTGAAGGCTTTCATCAAGTTCTCAGGGAAGTCAATATCAAACCTCAACCCGAGAACTTGATCATCTTTGC  
AGTACAGGATTTATTGTCTGGAGTGAATTCTGGCAGGCAATTCTGGAGTTGGACAAAACCTTTGGAGGCTTAA  
AGGATTC AACCGGATTGATGGGTAAAAAAGTGTGATCTTTATCACTTTAACGGGATTGCCAAGTCTGATTTA  
AATGGAAACCAAATAGCCTGTGGAGGTGAGACTCCTATTCAAAGACCCAGGCTGACTAAATTGAAAGTTTCG  
GTTCCACCACGGTGGACTCCAGAGGAATTCATGGCAGATGTGCCTGTTTCTTCTGCTTCAGCAGGAAACGGAT  
CTGCCAGTAAAGATGTTGAGGTTTCTAAACCGGAACCATCTCAACATGCCCCACTGGTCGATTGCATCAGAAC  
ACGCTGGCCTCGAGCTGTTTGAGCTGGGCTGGTGATCCTCCTAGTATAGTATGATTTTTTTTCTTCTTTTTTG  
CTTTCCATTGTGCACAATGCATGAATGTTGCGGCAAAAGACGGGGAATTTCCATTTGAAAGCACACAAATGG  
GCATAATATGTATTATTATCTTTAGGCTGTTTGTGCACGA

>trans\_c\_820 XM\_002869630|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata clp amino terminal domain-  
containing protein, mRNA

AAGCTGCGCCCAATTCGGAGAGCAAGAAGCTCACGAAACGCCATAGCCATACCCAACCAAACTATCTTCCTT  
CTCAGTAAATATCAACTCTGCTTTCATCCTCCTTCTAAATTGAGCTTTTCTTAGTCTTCTAATGGCTGCTACTCGC  
TTGAATTCTCTTTCGTTTTCCAACTCCCATTATCCCTTCTTCTCAATCTAATTGCTATTCTTTAGAACACAAACC  
TCTACTCTTCCCTCACCCCCCTAATCGAGCTGAAGCTCGCAATTAAGCGTTCTAATGCCACCCATCCCGTCTC  
GAAGTTCACTCGCCGTGCCACCGCTGCAACTGTATCGTTAGCCTCCCGGCTTCGAAACCCGAGGGCGTTTCCC  
CCGAGAACTTCCTAAATGGTCAGCAAGAGCAATAAAGTCATTTGCAATGGCAGAATTGGAAGCAAGGAAAC  
TCAAATATCCAAATACTGGCACAGAAGCTTTGCTAATGGGAATTTTGATTGAGGGAACGAGTACTGCTGCCAA  
ATTCTTAAGGGCTAATGGAATTACACTTTTCAAAGTAAGGGAAGAACTGTAAAGCTACTTGGAAGTCTGAC



ATGTATTTCTTCAGTTCAGAGCATCTCCATTGACTGAGCCTGCCAGAGGGCACTTGATTGGGCTGTTGCGG  
AGAAGCTAAAGTCAGGCCAGTCTGGAGAAATAACTACAGGTCATTTGCTTCTTGGTATCTGGTCAGAGGAATC  
AGCAGGTCGCAAGATCTTGGCCACCCTTGGCTTTGACGATGAGAAGGCAAAAAGAGATTACAAAACTGTGGA  
CAAGGATGCAACTTTCAGTTATAAGTAGATGGATCATGTAGGAAGATGTGATGCGATTTTCATATTTTTGCGG  
ATGGAATCCTTAAAAAGGACCCCCCAAATGAGATTACATGATTTGGATCCTTGTGCATCCATTTGGTGATAT  
AGTGAATTGCCCCGTTAATCAGCACCTGCCGTTCAACATTATCAGCTTCATTTTGAATTGACTATTGTTGCAACT  
TGTTGAGTGCTGGTATGGTACGCTACATTTAGTGGTCTCAGGAGTGTTCCCCGGCTTTTCTTGGACAAGCAAC  
CTAAGTTGAAAGGGAATAATTACCTCAATAATTAACACATCCCATTCTTAATTTAGTATTGCAAGACATCCTCA  
ATTACTTTTCAATTTGTTTAATATTTTATCTTTGTTTCTTTAATTCTTCTTAATATATGGGGTTTTGCTTGCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_821 AY105794|Zea mays PCO076255 mRNA sequence

ACTCATTCCACCAATTTCTTCTCTCTTCAAAAATGGCTTTCTCTACCTTCTCCAAAACAACCCTCATCCTCTCT  
GCCACTTTATTCATCACTTACGGTATCGCTCATGATTTTTCAATCGTAGGCTATTCCCCGAGCACTTAGCCTCC  
ATGGATAAAACCATCGAGCTGTTTGAGTCATGGATGTCAAAGCACAGTAAACGTATCGGAGTGTTGAAGAG  
AAACTCCATAGATTTGAGATATTCCTCGACAATTTGAAGCACATTGATGAAACAAACAAGAAGGTTTCTAGCT  
ATTGGCTGGGGTTGAATGAATTTGCAGACCTGAGCCATGAAGAATTCAAGAGTAAATATTTGGGATTGAGAG  
TTGAGTTTCCGAGGAAACGATCGTCTCGTGGGTTTAGCTATAGAGATGTGGAGGACTTGCCCGAGTCGGTTG  
ATTGGAGAACTAAAGGAGCTGTTACTCCTGTCAAGAACCAAGGCTCTTGCGGGAGTTGCTGGGCATTTTCAAC  
CGTTGCGGCTGTGGAGGGGATAAACCAAATTGTCAGTGGAAATCTAACCTCCTTGTCCGAACAAGAATTGATC  
GATTGTGACCGAAGCTTCAACAACGGGTGCTACGGTGGTTTGATGGATTATGCCTTCCAATACATAATGTCGA  
ATTCCGGAATTCGAAAGGAAGAAGACTACCCATATCTAATGGAGGAAGGAAGATGTATCAGAGAAAAGGAA  
CAATTTGAGGTAGTGACCATTAGCGGTTACGAAGATGTGCCAGCAAACGATGAACAGAGTCTCCTAAAAGCA  
TTGAGTCACCAACCTGTCAAGTGTAGCCATTGAAGCTTCTGGTAGAAATTTCCAATTCTACAAAGGGGGAATATT  
CACAGGCCGTTGTGGAACCGAAATGGATCATGGCGTGACAGCCGTTGGGTATGGTTCATCAGAGGGAACAG  
ACTACATTATAGTAAAGAACTCATGGGGACCAAAATGGGGAGAAAATGGATATATTAGGATGAAGAGAAATA  
CAGGAAAACCTGAAGGACTATGTGGAATCAACCAAATGGCTTCTTATCCAACCAAAGAGAAAATAATCCAATGA  
AGTTAGCCCTCTAGTCTCTATGATTGTCATATTCTTTTTTCTTCCCACCAATTTCTTTCAAATCGATATGAAAG  
GCAACTTTTATTACCTTTTAAACAATAAAAGGACCAAATTTGTAATGGTTTGACATGAAATAAATTGCTACTCCTT  
TCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_822 Novel Gene

AAAATTGAAAATTGGGGAAGTTGCGTGATAACTCAGAGATCAGAATAGTTTCTAAAAGCGATTCTCAATTTTT  
TCTTTTACTACTTTCGATTCACTTTCTTATTCCTTCTTCATCGTTTCATAATCCACTAGAGTTTCTGTTATGGAGAA  
AATTAGAAGAGCATCTCATGCCGGTCCTTGGTACACCGACAATTCTAAGAACTCGCGGAGGAGCTTGAAGG  
ATGGCTGAGGGCATCAGGCCTGTCTAAATCCCCGGATGTACGTGGTGTAATTGCTCCGCATGCTGGTTATTCT  
TATTCAGGACGTGCTGCTGCATATGCGTTTGGTAATATTGATCCAACCAACTTTTCTAGGATCTTTCTTCTTGGT  
CCATCTCACCCTATTATACAACAAAATGTTCTCTTCAACTGCCACTGTTTACCAGACCCCTGTGGGGGACCCT  
CCTATTGATTTGGAAGTCATTGAGGAGCTAAAAGCTACCGGAAAATTTGAATTGATGGACATGCATGTTGATG  
AAGCTGAACATAGCATGGAAATGCACTTGCCATATCTTGCCAAAGTATTTGAGGGGCATTGAGTGAAGTTGT  
ACCCATTTTAGTTGGTGCTGTTTCTGCAGAAAGTGAAGCCATGTATGGACGCCTGCTTGCCAAATATGTGGAT  
GATCCAAAAAATTTCTTCTGTATCCTCAGATTTTTGTCAATTGGGGGTCTCGGTTCAACTACATGCACTACGAC  
AAGAAACATGGGCCAATATACAAATCTATTGAAGCTTTGGACCATATGGGCATGGATAAAATAGAAACAGGA  
GATCCTGAAGCATTCAAAAAGTACCTGCAGGAGTATGACAACACCATTTGTGGTCGTCACCCTATTAGTGTATT

TCTTCATATGTTGAAGCAAAGCTCCACAAAAATGAAGATAAAATTCCTTCGATATGAACAATCGAGTCAATGCA  
AAACGATGAGAGACAGCAGTGTAAAGCTATGCATCAGCTGCAGCCAAGGTGGATGCTTGAAGCTGTGTGAATT  
ATGGCAACGAGCTTCTTCATTGCCTTCGCCTTAACCTCTGATATGATGCATTTTACTTTGTTCTTAAATTATTTAG  
AAAGTCTTGTCCATCGTGTTACATATCAGTCATTAGCAACCTTCATCGTTAGTGTGTTATTTAATTTTCGTTTCA  
TATATTTATTCTTGGTCGGAAGTATGATTCTCGAAGGGCTTCTGATGAAATTTCTGTTTCTCCATTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_823 NM\_111931|Arabidopsis thaliana protein phosphatase-related (AT3G10940) mRNA,  
complete cds

ACTTCGATCGTTATTTGCGGTTTTTCATCTCAAGAAGAAAATGGGAGCTGCTAATCTCCCGTGTTTTTCATCGCT  
ATTTGGAGTTTTTCCACTTCAAACAATGCTCCCAACAACTTTTACCATTTTCTTCAACTCTTTCAAACCCCTT  
TACCGATTCAACAGGATTTGCTGCGGAGTGCCTGAGAGTGGAAATTCAGCAAAACCCCTCAACTTCAGACCTT  
CCTCTTCCAAGAACAGGATGGACGAGTACAATTTAGCTATGAAGAAGATGATGAGGAACCCCTATGAGTATC  
ACCATGAACTGGGTATGAACTATACCGTGATAGCTGACAATTTGATTGTCGGGTCCAGCCTCAAAACCTGA  
AGATATCAATTTCTTGAAAGAGGAAGAAGGTGTTGCCTATATTCTGAATTTACAGCAGGACAAGGATGTTGAG  
TACTGGGGAATCAACTTACAATCGATTATAGAAAGATGTAAAGAACTTGAATTCGTCATATGAGGCAACCGG  
CAAAAGATTTGATCCTGATTCCCTGAGAACTGGATTGCCTAAAGCTGTTTCCTTGTTAGAATGGGCAATTTCA  
AAGGGCAAAGGAAAAGTATATGTGCATTGCACTGCTGGACTTGGAAGAGCCCCGGCCGTTGCAATAGCCTAC  
TTGTATTGTTTTGCGGAATGAATTTAAATACAGCATATGAAGCACTGACCTCTAAAAGACCTTGTTGGACCAA  
GTAAAGAGCGATCCGTGGAGCGACATACGATCTATCTAAAATGATCCATGGAAGGAACCATTTGAGAGCC  
TTCCAGATAATGCATTTGAGGATATTGCAAATGGGAAAAAACTTGATTGTTGGGATCGGGTTCGTTCTCTCCGT  
AGAACTTAAGTATGCAGTCTTTTGCCTGTCTCATCTAGTTCGTTTTCTTTGTTTTCTTCTTTCTTTGTTGCTT  
TATCTGCATTATCAGTGTTTTGCCCAAGGAATCTAAGTACATAGCTGTTTCATAGTAGGTATTTACAGTATATCAA  
TATTTAGGAGCGTGTCAATGCGTGAGGTTCAATGTCCTTCCACTTTTACAAGGATGATGGACTGGAGAACA  
TAGAATGTGGTAGTTTTGCTTGCTGTTACTGTCATAGGCTATGGAGAATAAGAGTTGGGACAAATACATGTAG  
CAATAGAGGTGAGCTAATCTCAATTGGTAAATTTGAAGCCAGATGTATAGAAAACACTATATTGAATCAAAGT  
AATAAATATTTGCTGTAGTGTTGCACTTGAT

>trans\_c\_824 BT015624|Arabidopsis thaliana At4g16580 mRNA sequence

TGGCCTTCCCTTCTGCATCCATTCCATATACATTTCTGGATTCCATCTTCTCAATTCTCCTGCTACACACCCACCC  
TGAGATCCTACTCTAATCTTGTGAAGGTTCTAATTTTCTGGAACGTATGGACATTTTGATCTGGGGAAGTATTA  
TGCATCTAGTAATCTGAATATAGATGTGCTGGGAGGAATGGTATTTTTCTCATACGAAGTTGTAGAGGGTGC  
ATCCTGTGCAGGAGAAGAATCAAAGTGAGGCTCTTCTGTTTAAGGGGCTAATATGCCATCTTATATGTCAAAA  
CTACGAGCGCCAGTTAAATTTCTAGGGTGGGAAGGTGGATTGAAAAGTTCGTTGGAGTTGCTTTGGGGCAT  
CAGAACTTTTGTGTGGCAGTTCTAGTCTATTTCACTCCGTTCCGTATTCCTCACTTACAGAGTTGCATGCTCTC  
TTAAGACCTGGTGCTATTTCCGGTGCTAGTTCAGAGCTAGTCAATCGCCGAGGAATATCTCAGTTCCTGGGG  
CAATTTCTCGCACATTTTCTATTCCCTCGGTGTCAGGCCCTGCATTGCAGACTTGTTGGGTATCATATTGATTGTG  
CCATTGCTCAATCCTATCAATATTCAACTCACAGCAAGTGTCAAGAAAAGCCAATGGCTGCTTATGGTTCTAGA  
GCGACACTTGGTGAATGTTCTCTTGATAAATTAAGTTTTAGGAATGTTGCATATTCGTCTCCTTCAGCGATCACT  
GCTGGTATTTCTTTAATAGAAGTGTTGATAGCTGTAGGAAAGCCAGCATGAATTTGAAAATCAGGAGCAGC  
CTAGCAATAATGTGATATATGGATACTTCACTTACAATGTTGCAAAAAGGTTTGGCAGCAGTTACCTACATACT  
GTATCAGGAGTAAAAGATCTTCATAGTTCATCAACTTCTCAGTTTGCTGCTGGTTCTGCTCCCAATGTGTCATTT  
GATAACTCTGCACGTGAGGAACAACCTCCGAACCTACTGATTCATCTGAACAGAAAATCTCAATGGGCAAT  
CATTGAACTGGTTTCTGGGTCATGCTATCTACCCATCCTGATAAAGAAGATACTGGCGGAGAAGATGCTCA



>trans\_c\_827 HM122518|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL7)  
mRNA, complete cds

CTGTCGATGCAAACGGTAACCGGCCTGGTGATTGATTGCTCCTGATTTTACTTCAGCCTTTCATTCAAGGAAA  
AAAACATTACAACAATTGCTAAATGGTCATGAAGAAGGTCTTAGTTCATCTGAGGCAATATTTTACGAGAGAG  
AAACATTGGAGCCACTGGAGCTTTCAACCCTTCGAGCTTCTCGAGATGGGACGGAGAAGAAAGAGTATCCAG  
TCGATCTCTCACTTCCGGACATCAAGAACGGAATCTATAGCACGGATGAGTTCAGAATGTATACTTTTAAGATC  
AAACCTTGTAAGAGCTTACTCTCATGATTGGACAGAGTGTCTTTTGTTCACCTGGCGAAAATGCAAGGA  
GGCGGGATCCGAGAAAAATATCATTACAGCTGCGTCCCATGTCCGGAATTGAGAAAAGGAACATGTAGGCAAG  
GGGATGCCTGTGAATATGCTCATGGAATATTTGAATGTTGGCTCCATCCTGCTCAATATCGTACCCGCTTTGT  
AAGGATGAAACTGGATGTACCAGAAAAGTCTGTTTCTTGCTCACAAGCCAGAAGAGCTCCGCCCTTGTATG  
CTTCAACCGGTTCTGCTGTACTGTCTCCAAGATCAATGTGGTCTTCACTAGACATCGCTTCGATCAGTCCACTT  
ACCTTGTTCTCTTCAGCTTTGATACCTCCTTCGTCACCCACCTTTAACTCCTTCTGGAGTTTCTTCTCAA  
TGGGTGGAACCGTGTGGCAGACTCAGTGAATATTGCTCCCCAACCTGCACCTCCAGGTAGCAGGCTAAA  
GGCTTCCTGAGCGCAAGAGACGTGGATTTAGATGTCGAGTTACTTGGTCTCGAAAGTCAACGCCGTAGACAA  
CAACAGCTAATGGATGAGATGTCCTGTCTACCTCCCCTCCAGATGGAACAATGGCATAACCAACTCCTGCATC  
TTTTCTCCCCAAGGAGTAGAAGTGGAGAACTGAATGGTCTTGAGGCATGAAGCCAATAAACTCGAGGA  
CATTTTCGGGTCTGTAGATCCTGCAATTTTGCCTCAATTACAAGGACTTTCATTGGATTCTGTGGGATCTCAGG  
TACAATCCCCTTCTGGAATCCAGATGCGCCAAAGCCTGAATCAGTCTTCTCTCAAGCTATGGTAACAGCATT  
GGATCCCCTCCTCAAGGTTGTCTCAACCATCCGTGTCTACTGCAGCCAGTGTCTGAGTTCTAGAGCTGCTGC  
NTTTTGCAAGCGTAGCCAGAGCTTTATC

>trans\_c\_828 NM\_202197|Arabidopsis thaliana SCPL45 (SERINE CARBOXYPEPTIDASE-LIKE 45  
PRECURSOR); serine-type carboxypeptidase (SCPL45) mRNA, complete cds

GGAGAAATGGTTTGTCTAGATTCCACATTACAGAAACAGAAGCTTGTTTATTACAGGAGAAAGCTATGCTGGT  
CATTATGTTCCCAACTGGCAGAGCTTATGGTCCAATCTAACAAAACCTCATTCAACCTCAGAGGCATTGCTAT  
TGGCAATCCTGTTCTAGAATTTGCTACTGACTTCAACTCAAGGGCTGAGTTCCTTTGGTCCCACGGTTTAATATC  
GGATTCAACATTTAAAATGTTTACGTCAATGTGCAACTACTCTCGTTACGTGGGTGAGTACTACAGGGGGTCT  
GTTTCACCCATTTGCTCAAGGGTGATGAGCCAAGTGAGTAAAGAAACCAGTAGATTTGTTGACAAGTATGACG  
TTACCTTGATGTATGCATATCGTCTGTGTTCTCTCAATCCAAAATCCTCAACCCTCAACAAGTAAGTGAAGT  
TTGATGTCTGCGTGGAGGACGAAACAGTCAACTATCTCAATAGGCAAGATGTTTACAAGGCACTTCATGCACG  
TCTAGTGGGAGTGC GGCGATGGGCTGTTTGCAGCAGCATACTGGATTATGAGCTGTTGGACCTGGAGGTGCC  
GACTATCAACATCGTGGGAAAAGTATCAATGCAGGGATACAAGTGTGGTCTATAGTGGAGATCAAGATTC  
CGTCATTCCACTCACAGGAAGTAGAACGCTTGTTTCAAACTGGCCAAAGAGTTGGGACTACAAACAACCGTA  
CCTTATCGAGTCTGGTTTGAGTGGCAGCAGGTTGGTGGGTGGACTCAAGTTTACGGCAATATTCTTCTTTGC  
CACAATCAGAGGGGCATCACATGAGGCACCATTTTCAACCTGAAAGATCATTGGTGTGTTCAAGTCATTTT  
TACAAAGTCAGCCTCTACCAGAAGCTTTCTGATAGATAATTCAGGTGAGCTCGTGATCGAAGAGAATGAAGT  
TTGATCGCCTAAGTAATAATCTGAGAGTGAATTTATTTCCCATGTTATCCTTCAGTGTCATTAATCAACACTGGA  
ATGGAAGATTTTGTAAAGGTCATCAGTAAAAAGGAGAAAATTGTACTAGAAAAGAGGGACGAGCAGAGCTC  
TTTTTGTCTCTTTCATGAATTCTGTAAATCTATTTCTTGAGTCATCTTATTGTGAAAGCTCATTGAGACAAAA  
ATGAGAATCAGTTGGAACCTTGAGGGAAAGAAGAGAGTTTTATTAGTGATGTATTTTCAAGATTGTACAACATTTT  
CTGCCAAGAATTTTCATAATATTTAACT

>trans\_c\_829 X64349|N.tabacum mRNA for 33 kDa polypeptide of water-oxidizing complex of  
photosystem II

AATCCATCCCGAACTTGGGATGGTCCCTGCGGATGTCTGCTCTTACTCACAATCCAGAGAGGAGAAAACT  
CTACACAACAATGGCGGCTTCAGTACACGCCACCGCGGCTACGCTTATGCAACCCTCCAAGTTGGCCTCAAGG  
ACTACCACCTCTCAACTCAGATCTTCTCAATCCCTTTCTAAAGCTTTTGGCCTTGAATCTGCCGGAGCTAGACTC  
ACCTGCTCTCTTCACTCCGATCTCAAAGACGTGTCTCGAAAGTTTGCCGATGCTGCTAAGATTGCCGGCTTCGC  
TCTTGCCACTTCCGCTCTTGTCTTTGCGGAGCTGGTGCTGAAGGAGTACCAAAGAGACTCACCTTTGATGAA  
ATTGAGAGCAAGACATACCTTGAAGTTAAGGGAAGTGAACAGCTAACCAATGCCCAACCATTGAGGGAGGA  
GTTGATTCAATTTGCCTTCAAGGCAGGCAAATATCAAGCCAAGAAATCTGTCTTGAGCCAACCTTCTTTCACTGT  
CAAGGCTGAAGGAGTGAGCAAGAACTCCCCACCAGAATTCCAAAACACCAAGCTCATGACTCGTCTAACTTAC  
ACACTAGACGAGATTGAAGGACCCTTTGAAGTTGGTGCTGATGGTTCAATCAAGTTTGAGGAGAAAGATGGA  
ATTGACTATGCTGCTGCTACTGTCCAGTTGCCGGGAGGTGAGCGTGCCATTCTCTTACCATCAAACAATT  
GGTGGCTTCTGGAAAACCAGAGAGCTTTGGAGGAGACTTTTTAGTCCCATCTTACCGTGGCTCGTCTTTCTTGG  
ACCCAAAGGGAAGAGGAGGTTCAACTGGATATGATAATGCTGTTGCATTGCCTGCTGGAGGGAGAGGGCGAT  
GAAGAAGAAGCTTGCTAAAGAAAAACAAGAATGCTTCATCTTCAACAGGGAAAAATCACTTTGAGTGTGACCA  
AGAGCAAGCCTGAGACTGGTGAAGTTATTGGTGTGTTTGAGAGTATTGAGCCTTCTGATACTGATTTGGGAGC  
AAAAGCTCCAAAGGATGTGAAGATCCAGGGTGTGTTGGTATGCTCAGCTTGAGTCTTAGGCCCCCTTCTTTCTC  
TTTTATGATTGTGTAATATTGTTCTTGTAAAGTTAAAAGAGAGAGTTGCTAACTTTCTTATGGAGAGAGACGC  
TAGCAGGGGTTCTATTTTTATCCAAGTTTGCATATAAAATCTTGTGCCTTTTCACTCTTCATAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_830 NM\_113787|Arabidopsis thaliana oxidoreductase/ zinc ion binding (AT3G28670)  
mRNA, complete cds

AAAGGCGGAGTCAGTCAACCATAAATGCAGTGGAAGAAACGAACCGAGCGATTACTGGCGGGAAGGGCTGA  
ATAAAGAAAACGCCATCTGAATTGCCGCGGTGAAGCACCGCCACAGTCTATAATGGTGAAAAGTGTGGTCTGG  
AGAAGAGTCACGGCTCAAATCGTCGAGAATCGCCTCGCTCAGTCCGCAATTCCATCTGAGATCGGCCTTGTG  
ATCGGACGACTTAGCTCTCCATTAGATAGAGTTTTGTTTTGATTGGTCCCACTCTCTCAACGATGCCGG  
AGAGGCGGCTTGTTCCCTCGTCGGCGCCATTAAAGACGATAAGAAGAAGGGATCGAAAGGAAAATCTCCAGC  
TGTCGATTTCATCGTCTTTGGTTATCGACATGGATTGGGTTGCTGAACATGCTCGACAGGTTCCGAGAATGCTA  
CCGGGTGGTGTGAAGGTGATTGGCATTATGTGTGGGCTAGTGAAGTGGCGGTTAAGAATTCAACCCTAATG  
CTCTGCCAGGCTGTAAAGGCTGTTGCGGAAGCAGCACCATTTTCAGTCAATGACTTGAGGAGAAAGACTCCTCA  
TCCATATCTGTTATAGTCCAAGGAGGTGGACATGTAGGAATTTCTTTTGACTTCAAATCTCACATCAAACAGC  
TTGCGTCTTGTGATTTTAAATGGGAAGAGTCTTAACATCACTTCAGACGTTTAAGTGTATGTTCAACTTTGA  
TATGAGGATACCTGTTTGGAGGGCATCAAATATCCAAAGATTAATAGATGTAATTCGTAATGGAATTTCCATTC  
AAGCTGATGTTCTAAAAGGTGCAAAGGCCGTGGTTGACGGAAATCTGGTTGTCAGCGATGACCTTCAATTAT  
AGGGGACTTGCATGAAATTGAACTACTCTACCATTCTGAAAAATACGTCTTTTGAAGCGTCCAGCCAAAAA  
GATGTTGATGGTATCATGGTCTTTAGAGGCTCTGTTTGTCTTTTGCTTATTTGAATTCGAAAGAGCCTATTTCC  
GAAGCTGTAATGGAAATAAAGGGAGATATCATCACAAGTTTACAAAGTAGATTGGCCATAATATGTGATGAG  
GTAGATGCAGATAAAGATGTATCTAATGACGTTACAGGGATGCAAATGAAATGACATCAGAACAACACGTTT  
CTCAGCTCTTCTTCACTCATTAAGGAAAAAGTGATCTCTCATTTCTCGAAGAGTATTTATTCCTTGTTGG  
CAGACATTTACATTTGCGACTACTTGCAACCATC

>trans\_c\_831 GQ377252|Populus trichocarpa lambda class glutathione transferase GSTL1 mRNA,  
complete cds

ATTCTGTGCTTAATCCAATTTAGTTGACAATTATGGCAACTTTGACACTGGGCAGCACCATCGGCTTCTCCCACT  
CTTCGTCTTCTCAGATATCTCTGCTTACTGTATTCCCTCTTCAACCACCAGATTCTGCTTCTCAGCATCATTCTT

TCTCCTCTCAAACCTCAAAAACGAACATCTAGAAGAAGAGCTAGAGCTCTAATTGCAGTGAAAATGGCTGCTC  
AAGCTTTTCAGGAAGTTCTTCTCCAGCCCTCACTTCAGTTTCAGAACCACCTCCTATCTTCGATGGAACAACGA  
GGCTTTACATATCTTATACATGCCCTTATGCACAGCGTGTGTGGATTACTCGGAACTGTAAGGGTTTGCAGAAT  
AAGATACAATTGGTCCCATAAATCTACAAGATAGGCCTTCATGGTACAAGGAAAAAGTTTACCCACTTAATAA  
GGTTCAGCTCTTGAACATAATAATGAAGTCAAAGGAGAGAGTCTTGACTTAATTAATATATTGACAGCAAT  
TTTGAAGGCCCTTCATTATTTCTGATGAGCCAGGAAAGAGAGAGTTTGCTGAAGAGTTGATAAACTACGTGA  
ATTCTTTCACTGGATCTGTGGTTTCTTCATTTAAAGGAGATGGAAACGAAGCTGATGTGGCATTGACTACATC  
GAATCTGCTCTTTCAAATATGGAGATGGTCCATTTTCTAGGCCAGTTTAGTCTGGTGGATATAGCTTATGC  
TCCGTTTATTGAAAGGTTTCGGCCGTTCTTATTGGAAGTAAAAACGTATGACATCACTGCTGGCAGGCCAAAA  
CTGGCTGCTTGGATTGAGGAGATGAACAAGATCAAAGGGTACCAACAAACAAAGCGCGATCCACAGGAACAT  
GTTGATAGTTATAAGAAGCGATTCTTGAGCCGTTTGTGAAAGCCACAACAGCATAGGGTCCCCCACGTGCTGT  
CACGTGTGGCTGTTGCTGCTTGAATCAGATAGCTTCATGTGTAACATTTAACAAATAAAGGAACCTCTTAGAT  
CATTGTACCTTTTTTTTAAATTTTCTTAGAAAGTACCAAACTGAATTGGTCTAATTCCAACCAAATTTGGTTTCAT  
TTGAAATGTATTTTACAAATAAAGGGAACCTGTTTGGTTTATAAATTGTAAGTTGAAAAGCCAAGTTTGGTTC  
AGTTTTTGCAAAAAACAAAAATAAATCTAATGTAATTTAGTTCTATTTCATTTTAGTTTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_832 XM\_002887909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AACCTCGAGAGCGTCCTAATACAAAGTCATTAGTTACAGCATTGATTCCCCTTCAGAAAGATCTCGAGGTTCTC  
TCTCATGTATTGATGGGCATACCACAGGATGCTGCGGCTATGAATCTGTCACTCTCGGTGAAGCTAGCTTAC  
GAATGGATTTGACAGCCATACATGAAGTTTAGAAATGATTGGGTACAAGGATGATGAGGGTGCAGCAACTG  
AGCTTTTCATTCCAGATGTGGACCAATCAGATGCAGGACACCTTGACTTCAAAGAAAAAGGGCGACGTTGCTTT  
CCGGCAGAAGGAGTTCAGAACTGCAATTGAATGCTATACACAGTTCATAGACGTTGGGACCATGGTTTCTCCA  
ACGGTATTTGCACGTCGGAGTTTGTCTATCTGATCAGCAACATGCCAGAAGAAGCCCTTAATGATGCAGTGC  
AAGCCCAAGTAATATCTCCGCTTTGGCACGTTGCATCCTATCTGCAAGCTTCTGCTCTATTTACCTTGGTAAGG  
AAAATGAGGCACATATAGCGCTCCGTGAGGGTTCTGTCTTGAAAGTAAAAAGAACGCAACAACCTGACAAT  
AAGCAAAATGAAATACAAAATTCTCTTCATTGAAATTGCTGTTCTTCTGAAGATGAGAACAGATCACACTTCCG  
TACATATTGCAAAACGTGGCCTAAGGATTGACAACATATAGAGTATGAATGGAGAGAAACGGAGGTACTTTT  
ACCGCACCGTGATTCAATCATATTGTCAAGTTAAAGGTCTTTTTTAACATCGCTTCTGGATGGATTGGTTTGCTG  
AGTTTTCTGAGGGTGTGGGTACTTCCTTTCTTCAAATTACAGTAGTCTGCCTGCATTCTTCTTTCTTTTGCT  
TTATTTAATACTAGCATCTTGAGATATGATTGATTAATGTTGCTTTCAGAACATTATTTATCTGTAAAGAATTCA  
CTATTTAAATTGCATTCAAGGTTGAAGTGGTGAATGCGTTTGTTAACTTTCAATGCTTTTAAATTTATGTAGAAAA  
CCCGTTGTTGAGCACATTGAGGGTGACACCAATTACATGATATTACTTATTCTTCTTAATAAAATTGAGTACTT  
CAAGTTGCTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCGCCCCCAAAACTTAATCAT  
ACCCTCCAACCTCAGGGGGGGGCGGGACCCCATTTCCCCCAAATGGATCCTAATAACCCCGCTCCCTGGGC  
CGCCTTTTTACACCTCCTGGCC

>trans\_c\_833 D63331|Nicotiana tabacum mRNA for nitrilase, complete cds

GCTGAAGCTCAAGCTGAGAGAGAAAAAAGGGAGATTCAAGCAGCAACCATGGCGCTTGTAACCAAC  
CACGGCCCCCTACCGATCCCCAATTGATAGCGGAGGTTGACATGGGCACCGATTATCTGTAATGACTGTTCGA  
GCCACCGTCGTTCAAGCCTCCACCATCTTCTATGACACTCCCGCCACTCTAGACAAGGCTGAGAGGTTGTTGGC  
TGAAGCTGCTGGATTGTTCCCTGCTAGTTGTATTTCCAGAAGCCTTTGTTGGTGGTTATCCTCGTGGATCAA  
ACTTTGGTGTGTTCCATTGGGAATAGAACTCCTAAGGGGAAAGAGGAATTTGTAATATCATGCCGCAGCGAT  
TGATGTACCTGGTCCTGAAGTTGATCGATTGGCAGCAATGGCTGGAAAGTATAGGGTTCATTGGTAATGGG

GGTGATAGAGAGAGATGGCTATACACTGTACTGTACTGTCCTATTTTTCGATCCTCAAGGTCGTTACTTGGGTA  
AGCACAGGAAAGTGATGCCAACTGCATTGGAGCGAATAATCTGGGGCTTTGGTGATGGATCGACAATTCCTG  
TGTTTGAACCTTCAATTGGAAAAGATAGGTGCTGCTATTTGTTGGGAAAACAGAATGCCACTCCTAAGAACAGC  
TATGTATGCAAAAGGCATTGAAATATATTGTGCACCTACTGCTGATTCTCGGGATACATGGCAAGCATCAATG  
ACCCACATTGCTTTGGAGGGTGGATGTTTTGTTTTGTCAGCCAACCAGTTCTGCCGAAGAAAAGACTACCCACC  
TCCACCAGAATATGTATTTTCTGGCACGAAAGAGGAACTGACCCCAGATTCTGTTGTTTGTGCTGGAGGTAGT  
GCCATCATATCACCTTCAGGCACAATCCTAGCTGGACCCAATTACGATGGAGAGGCACTTATTTAGCAGATCT  
GGATCTTGGAGAAATAGCACGGGCAAAATTTGATTCGATGTGGTTGGTCACTATGCAAGGCCTGAAGTTCTT  
AGCTTGGTTGTGAGGGATCATCTGCAATCCCGGTTACTTTACATCTACATCTACAAAAGCCGAAGATTCTTG  
TAAAAAGTAGTATGTATTATTCTTCCACACTTCTATTTAGTTCCATTAAATTGTTCTAGCCTACGTTTCGTTTCATGTT  
TCACTGTTTCTCCGCGTTCAATGTTGTATTATATTCATACTAAGTAATTCAAACTGTGAATATTTCTGTGAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_834 BT006285|Arabidopsis thaliana At4g27470 mRNA, complete cds

ATCTCTCTACAATTGTTCTTTCTCAAGGTCTCTCCGTCAAAATTTTCTTCCTTTGATTTCTGTCGGAATTGCCGTA  
CCAACCTTTCAGATTCTTATTTAACGAACGCATCACTCTTCCATGGAACAAAACACTCTGTACCTGAGGCATA  
CTTAGAGTCTGAACAAGATGTCTCTCTCAAGCAAACTGGAAATCTATCTCAACTGAGTCAACAATCTCAGAA  
GACGCAAATGGTTGCTTCGATTGCAACATTTGCTTAGACTCAGCAGCTGACCCTGTTGTCACCCTCTGTGGTCA  
CCTCTACTGCTGGCCGTGCATTTACAAATGGCTTCATGTTCAAATCTCCAGCAACGAACCTGAGAACACCCAGA  
ACTGCCCTGTTTGTAAGGCTAGCATTACTCCCTCCTCGTTGGTTCCCTCTATGGGCGTGGCACGTCAAACCTCA  
GATTCTGAATCCAAGAAATCTCACTTGGGTATGGCTGTACCTCGAAGACCACCACCATCAATGAACACACCAC  
CCCTTCCAATTCATCCTCGGCATCGTATCCTAGCCAGGAGCTTCATTCAAATTATATCCGCTCACCTCACACC  
CGATCTATCACCAACAATATTTCCCCAGGCCTACGGCAACTTTCCTCATACGCACCATCTTATCTTGGTAATG  
CCGTGATAACGAGTCTGCTAAACCCAACGATTGGGATGTTTGGAGAAACAGTTTTCACTAGAATATTTGGTAG  
CGTGGATGGGAACCTATTGCCCTACCCGCCATACAACAACCTCAATCTCAGGAAATGCCAGTACGAGAATGAGA  
AGACAGGAAATGCAGCTTGATAAATCTCTTAATAGAGTTCCATCTTTCTATTTTGCTGCTTTATTATATGTCTT  
CTGTTATTTTGAAATTGGGAATAGATGTTATGTGGAGAAGCATATGATGATATACATACAGATAAGCAGCTAG  
AATTTTGGTAGATGACTTCACACCGTGAGAAGTCATCTAATATGTACAGAAGGTTAAAGCTAATGTCACATATT  
GTTTTGTAATTCCTTTTGCTGCTTGCATGTTTATAATACTTCCCTACGTTTTCCACCCCCTAGAAAGTCTAATAA  
TTCATCATCTCCAAATGATATCAAGTCTAATCTGTTTTTCACTAGACATTGGTATAAAAGTCATGTTACCATGT  
GGTTGTACAATTTCAAACGAAAATAATTGAGTTGGGTTCAAGTTGTGTACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_835 NM\_001052662|Oryza sativa Japonica Group Os02g0187200 (Os02g0187200)  
mRNA, complete cds

CAAGTATTCTTAACGGGAACAAAACCTTTGGGTGGCGGATCCACTTTTTTTGTCACTTTGTCATGATGTTGGTGT  
GAGAGCTTTCCGAAGGCTTTGCCTTTTTCTTATAAAGAATGCAATTCGAGTTGTGTGCTCTCCTAGCTGTGATG  
TCGGATTCATTCTCACAAGGATGTTGCTCTTCCCCAAGTGCTGCAGCCATCTGCTCTTCCAGCTTGGAGGAAA  
CGATACAGAAAATAGGACAACCTAGGTTTCTGGGCAGGGCATCGGAACTCTAAAATTAGAGTCATACTAGCT  
CGTGTGTGGGAGAATGATACAGAACTAGACATTTCAAACAACAGGATAAGCAGGGCCACTGGACATTTTATT  
GTACCAGAAAAGATTTTTACAAGACAAAATTCTGCATATGCCAGGAGGTTCAAGTCAACAGTGCTCGAAT  
AGCTGACTCAATCCACTATGGATGTGTTCCGGTGATATTTGTCAGAATTATTATGACCTTTCCATTTCAATGACA  
TTCTTTGATTTGGAGAAAATTTTTCGGTGATAGTTAAGGAACGTGATGTGTACCAATTGAAACAAATACTCAAG  
GACATATCTGATATGGAGTTCATTAACTCCACAAAACCTTAATACAGGTTCAAAGCATTTCAGTGGAATTC

TCCCCAATCAAATATGATGCATTCCATATAGGTGATGTATGACTTATGGTTACGACACCATGTCATCAAATAT  
TAATATGCTATAGTTACACATGATTTCTTCTACAAAATTTTGTGTTAATTTCTCATTGTAAGAAAAAAATATT  
TGTAACCAAATATGTACATTCTCAATATTCTCAATTATCTCTTTGACGATATTTTCCCCTTATTTCTTTTACATT  
TGAAAGATATATATTTTTTTTTTGTTCATTAGACTTTTATTACATGCTTATGAATTGATTTCTTTTGTTCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTATAAACCCCCC  
CCCCAGGGGGGGGGCCCGGCCCTTTCCCCCAAGGGGGTAAAAATAACCCCCCCCCGGGGCCCTTTT  
TAAACCCCGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTTTATCCCCTTGGAACACCCCCCTTTCCCCGG  
GGGGGAAAAACAAAA

>trans\_c\_836 BT010354|Arabidopsis thaliana At1g17820 mRNA, complete cds

TGCGCATGTTGCTCAGTTTTGAACAATCGAATTAAGGCAGTGATAAGGGATACTTTAGTGCTCCCCAACAGT  
GAAAGTATTTACATCCCATTTATGATGGCAGAGAAGGATGACTGGGTCCAAGGGATATTGCACCATTTATGT  
GGCTTAACCAAGGAGCTTCTGACAATAAAGCTTCATGTGAAAATCAAAGCTCCATCCTGTTGAGGCCAAAA  
TAGATCTGAAGCCGCTAAAACCACCTCCACGGACCAACAGGGCATTGAGCACAAAAGACCTAAGAACGTTGA  
ATCTTCTCAACCACACTCTGACCTGTCCAATGCATCAAAGCCTTCATCAAGTACTACTAATCCAGCTCGAGCTAT  
AAAAAGACATTGGACGAAAATGAAATGAAAATCCCTTTATTAGAAAATGACCAAGCAGTTGAAAATTTCCAG  
CAACGTAGTAGAGAGTATGCCCAAGAAAATCATTACCATCTAGGTCTATAAGCAGCTTATCATCTGGGCAGG  
AAATTATAACGCTGAAGAAGATGAAAAGCCAAAAAGAATAGGAAGAAGAGCTAGAATGTTAGAGATAGGG  
AAGAAGATGGGGGAGAACTAGAAGAAAAGAGACGTAACATTGAAGAAAAGAGTAAGAATATTGTTGAGA  
AAATGCGAGGACCATAGGCATAAATATTACGAAACATCGATATTTGAAGATGGGCAATAGAAAATGTGAATG  
TGATTGAGAGTGCAAATGACGTTTCGTCTCTTCAAACCCACAAATACTGAAGCAACTGGAGTACAAATTTTGC  
AATCATTTTTTTCTTCTCAATACTAGAGTTTGATTGAGGTGGAGCTGAGGCAATTCAAATTGTATTGGTCCAGT  
CTTGAGTATAGGAAATCCTAGATGTGATTTTTGTTTTACGAGTTAGATCGACATTTTCTCTGTATAGATACAT  
TACAGCCTAGTCCTCATGAACATTAGTTAGCCATAAGGTAAATCGAATAACTGGAGTTTATCAACACGTAAAG  
TAATTTCTCTGTATTCATTAAGATATATACACACTGTTCTGAATACTAACGAACATACCTTCACAACTAGGTATGC  
ACTAATTTACGAAGATGTTTCAAATCTTCTTGAATGTTAATTTAATATTGAGATTGTTACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAA  
AAAAAGAAAACAAAAA

>trans\_c\_837 NM\_127199|Arabidopsis thaliana metal ion binding (AT2G16460) mRNA, complete cds

TTTTTAGTTGTTTGTATCATCGTCGGAGGAAAAGCTCAAGAATTTGAGGCGTCTTCTTCTTCCAATTCTTCC  
CAATTTCTTTGTTTCCTCGCGAAGCAACCGCGAAATTTTACGCCGTTCTCCTTTTCACTATTGGTGGCTGGG  
ATCATCTTCATCGCTGTTCTTCCCTACAAAAGGGTTCTTTTCTTCATAATTTTCCCAATCCATTGAGAAATT  
CCAACACGTTAGTTCTCAATCGATTTTCAACCCATTTTGGACCGACTTTTCTCCGTATACAGGTTAGAAAATTG  
GAAGGTCAAGGGGTGCCCTCAAATCAAGCTGAGGCAATTACAGCTGCCATTACTGAAGTGCTCAATGACAGC  
TTGGAAAATATATCTCACTCGTTTGTTCAAAGGGGGAGATGCAGAAAATTGAAATGATCCAGGATTCAAATT  
TGTCAAAATTCAAATCTGAAGTTCAAAGTTCACAGGGGCACCATTTTTCTTTATTGGGACATGAGACTGAAAA  
CTCCGAAATGATATTGAAAAGATGCGCAGTGAGCTGAGGTCTGTTTTACTGAACCTCAGTTTATAGTAAATGT  
ATTCTAGCTTCAAATTTAGACATTAACCTGTACTCTTAAATTAATCTTATTTGTGCAAAGACCTTGACTACGA  
TGTAGGTATGAAATTGACAAAGTCACTGCTGGACAGCGATTAGACTTGAATCTTGAAAGAGGGAGGATTGCG  
GATGAGCTAGCTAATCAGAATGCTGAAACAACCAACCTAACTAACAACTTGATCGGGAAATTCATGGTCTGA  
GGGCACAGCTAGAAGCGGCAAAATACGACGTAATAAAATACTGCATCGGAACGCTTGTTCCATTTCTGCTGT



TGGTCTAGCTGTACTTCGCATCTTAATGTAAACATTTGAAGTCAGCTGAAGTTCTGATAGAGATTCAAAATCAT  
AACTGGTTTAGGATTCATCCCGAATTCAACAAGGTGACATTTATTTCTATTTTTTTCTTTGACCATATTTTAGAG  
AGGATTCTTGGAAGTTCAGCTACTTTCTCCGAGAGAGTTCCATTTATTATTTTGATTTCTCATGGAAATGGATC  
TCGACGTAGCCATTTGAATTGTACTTAATACTTGTTTTTCAGATGATGATAGTGATAATAAACATTGTTGTAAA  
GACTTTCTTTTGATTTGATGATGATTTGTTCAAAAGTTAAACACACCCCTATTATTGTATTTATTTTCTACGTTCT  
CTTCCATTTTAA

>trans\_c\_838 BT008312|*Arabidopsis thaliana* At5g40240 gene, complete cds

TTGGCTCCAACACCGGCTTCAAAGCCGCCACAGCTCGAGGCCTCAGCTACTATGTCTTCACCCTCTACGTTTGC  
ATCGTCGCCGCCGCCGCCCTCATCCCTTCGCCTTCTTCTCCATAAGTCGGCAGAGCTTCTCCCAACAAGATT  
TCCTTCTTTTTCCAGATCGCTTGCCTCTCTGCACTTGGGCTTTCTTGTGAGTTGCTTGAAACAAAGGACTTGAG  
TATAGCTCACCGACTCTATCATCCGCCATTAGTAACTTAATTCCAGCTTTCATTTTCATGTTGGCTGTCTTTTTTA  
GGATGGAGAAGATAGATTTGAAAAGAAGCAGCAGCATAGTGAAAATAGTTGGGTGCGGCAGTGTCATATCA  
GGTGCTTTGGTAGTGGTTTTGTACAAAGGCCCAATTGTGATATCAAACCCATATTCTCCCCGCCCAAAACAATT  
GGGCCTTCTCTATCCAAATCCCCCTTTGGACTCTTCACATTCTCAGCCCAATTGGATCATGGGCGGCCTTTGCTT  
TGTCTTTCAGTACCTTTGCAATTCCTTTGGTACATTCTTCAGACCCAAATCATAAAAATATACCCAGATGAGAT  
AAGTGTGGTGGCAGTATATTATCTTATTCAAGCACTTTTGACTGCCCAATTTGTTTGATAGCAGAAACAGATA  
TGAATGCTTGGAAGCTAACAAATCCACTCATTTTTCTTTTCATTTTCAACTCGGGTTTGATGGGGCAGTCTTTTCG  
TGGCTGCTATACACACATGGGGACTAACTTGAAGGGCCCTGTTTACGTTTCTAGTTTTAGGCCATTGTCCATC  
GCCACTGCTGCTGCTATGGGTGCCATTCTTCTTGGTGTGATGATCTTCATCTTGGAAGTATAATTGGAGCAATCAT  
AATATCAATTGGATTTTATGGCATATTATGGGGAAAAGCAAAAAGAAGATTGAAAGGCTTAGAAAATGTTTGT  
GGGTGGAATCTTCATCAAAAGCTCCATTGTTGCAATATTATAAACTTGAAGAAGCATAATTTTTAACTTGAG  
CATAAGTTGATGCCTTCAATTTCAATTCCATTATTCATTTGAACTATGAGTCTATATTTCAAAAAAAAAAAAAAT  
AGTCTATGGTGGTGAAAACATATTGGGAATTTATTACATGCCCAATATGTGAATGTAATTAATTATATAAAT  
TCAATTTAGTTTGTCTAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_839 XM\_002301167|*Populus trichocarpa* nbs-*lrr* resistance protein, mRNA

ATCTCAGAAGAATCTTCTTACGTTGGTGAAAGATGCACGCGGTGGTGACATTTATAGCAGTTATTATGAGATG  
TATGTCACTCAACACGATGTCTTAAGGGACCTTGCCCTTCATTTCAAGTTGCCAGGAGAATGTAAATGACCGCAA  
GCGATTACTGATGCCAAAAAGCGACACACAGCTTCCAAAAGAATGGTTAAGGAAATCAGCACAGCCATTTAAT  
GCCAGCTTGTTTCAATTCACACAGGTGAAATGAAAGAAATGGATTGGACGCACATGATATTTCTGAAGCTA  
AAGTGCTCATTCTAACTTCTCCTCGATTGGATACTTCTTGCCTTCTTTCTTTGCAACATGCCGAAGCTAAGAG  
CATTAAATTGTGCTAAATAACAATGCAACACATGCAACTCTCTCAATTTCTCAGTTTTTTCTAGTTTGGTCAACTT  
GAGAGGCATCTGGCTGGAAAAAATTTCCATGACACAACCTATTCGATGCTTGTACGCCATTGAAACATCTAAGG  
AAGATATCTCTTGTTTTCTGCAAGATTAACAACAGCCTTGACGAGTCAGCGGTACATCAGATCTTCCCGTTCTT  
TTCGAACTCAAATTTGATCACTGCAACGACTTGTTTAAAGCTACCTTCAAGCATTTGTGAGATGCAAAGTCTGAG  
GTGTCTTAGTGTACCAACTGTCATAATCTCAGTCAACTCTCTACCAACTTATGGAAGCTGAAAAATCTACAAA  
TCTTGAGGCTTTTTGCTTGCCCACTTCTCACATCTCTACCCCCAAGCATTTGTGTACTTTCTTGTCTAAAGTACAT  
TGACATCTCCAATGTGTCTACTTAACCAGCCTTCTGAAGAATTCGGTAAGCTGACAAACCTAGAGAAAATTG  
ACATGAGAGAATGCTCGCTCATAAGGAGACTACCTAGATCAGTTGTGTCTTTGCAATCTCTCTGTCATGTAATC  
TGCGAAGAAGACGTCTCGTGGCTATGGGAGGATTTGAAGGGTCATATGCCTAATTTGTACATTCAAATCGCCG  
AGAAATGCTTTGACTTAGATTGGCTCAACGAGTGACAGTCAACTTTGTTGTAATTGTTGGTTTTCTTTATGTAC  
ATTAACCTTCTCTATTCTCAAAGTAAGCAATAATGCTAGTTCTTAGTGTTTTGAGCTCATCACGATCCATTCGT

>trans\_c\_840 AY094062|Citrus reticulata R1 mRNA, complete cds

>trans\_c\_841 EU373037|Gossypium hirsutum gland development related protein 46-like mRNA,  
complete sequence

[illegible]

>trans\_c\_842 AB363407|*Oryza sativa* Japonica Group OsRBP37 mRNA for RNA-binding protein, complete cds

TGTGCTCAAGAACCATCTATTGTACAAATATTGACAAGAAGGTTACTCAAGCAGAGGTCAAGTTGTTCTTTGA  
ATCACTATGTGGAGAGGTTTCAGCGCCTTAGGCTACTTGGAGATTATCATCATTCCACTCGTATAGCATTGTG  
AGTTTACAATGGCTGAGAGTGCAATTGCTGCGCTTAATTGCAGTGGAGTGGTGTGGGTTCCCTGCCAATAAG  
GGTGAGCCCATCAAAAACCCAGTTCGTCCTCGCTCTCCTCGTGCCAGCTGAACTGAATGCTCCCTGCATCCG  
TCCCATATTGGCCTGGTGCTCGATAGATATATTTATATATATTGCATATATATATATTATGGTTATAGAGATA  
TGTTTCAAGAAGGGGTTGTGGGCTTTGGTGGTGCATGGATCCTCTGCAGTGGAGTTGGTACCTTTTTGTACCTTG  
AACTAGGTGTTGTTGGTGAATGAGATATTTGTTTAGTTTTTATAGAGTGGATGGCATTGTTGAGGCTCTTAGTC  
GTTTATCTCTGATGATGTTATGGTGGATGCACCGGTGGATTCTGTAGGGTTGGTCCCTGGGAACACTTGGATC  
TTTCTTTCAATGTTCTTAACCTGAAACTCTTAATCAACTCTCCGCTCTTAGTCTCTTTCTCGGGTCTTGACCAT  
CTGTGGTTGCTATCTGCTTATTTTGTTCATTCTCTGCTACTGCATAGATAGTATATATGACAATACTCGAACCA  
GAATTTTTGTAACTGTCTTTTGAAGTTTCAAATAGATGGAGGTAAAATAACCCATGCAAAAGAACTTGATAGTC  
AGCCTGCCTGCGTTGAAATCCATTGTTGTTTTCCCTTTCCAACAGCTGAAATGGTTTGAATATGTGGAGATGG  
GTGTTGATATTAAAACTTGATCTTTGTGTTTTTGTGAATGCTTGGTCAAAAGAATGAATATACACCGTCGGT  
ATTTTCATTGAAGTTAGGAAAATGAAGAGTTTGGTCAAGCTCGGCAGGCGAGGCATTGCCAGGTCTCTTTGGT  
TCTACGGGACTTCTAATCTGCTGAGGCTCTTTGGTTGGTTTCTTCTTCATCCATTACTAATTATGCCTTAAATACA  
TCTCTGTTTATGAGATTACAGTTGTAATTATCAATGTTTTGTTTTATTATGAACTCCACCAAAACAATCCATT  
TAATAAGTTTGAAAAACACAAGAATACAAGGAACTAAACTCTGATTCTCGAAGATGTCTGGACGACGATAAC  
AGGGTCAAATTT

>trans\_c\_843 NM\_147251|*Arabidopsis thaliana* GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family protein (AT2G06025) mRNA, complete cds

GAGCCAAAGAGGCCGATTCTTCTTCGTCTCCACCGCGAACGCAGCCAGTGCCGGCGTTAGGGCGGATTGCG  
GGATCTCCGATCGTCTTCTTCCTTGATTTTCGATGTGTTTTGCTTCTTTTACCTTCAATTTGTTTTCTGACGATT  
TTCTTTTGTGAAGAACAAGGGGGATTGTTATTGCCCTTCCGGTTTCTTCTTTGTTCTGTTGCGAGGGTAAAG  
AATTTGTTATTAGTTTCAATGTGCGCGGCAATCTCAATTTATCGGCCGGAGTCTTGGGATCTGTCCAAGATGG  
ATGCCGGAATCATCTCAAATTCCTAGAACCTTCGCCTTTGCTTCGTGGAATATGACAATGGATTATAAATCAC  
ATCAAACGATGAAGAAGGAAGAAGTTTCTATTCAAGATTCAACGCCACTGTTGCAGCCAAAGTCGAAACCATT  
GGCGTCGAACGGGTACAGTTGACCGGCCGCCACTGGACGATGAAGATTTGGTTCACCAAAGAAGATTAGA  
GTTTGGTCAATTCGTAGCAAGGGAGGCTGTGATTGATGAAGAATTGTGGACAGCGGCATGGCTTCGGGCTGA  
AAGTCATTGGGAAAATCGACAAAATGACCGATATGTTGATAGCTTCAAAGGAAATTTGCAGAACAGGAGTT  
CAATGCTATAAAAAAGAAATGTGGTGGGCAATATGGACAGACATGTACATGCATTGTTACGGTAAGGAAGGA  
GCAGAAAGCATATAAACGTACAGTGATTAAGTGTAGTAGCAACTCTTGATCTGTGCTTGAGGCATTTGATG  
CATGGCGAAAGTTTTCCAGGGGAAAGAGAGAAGAGTCATGTATGCAGCATCAACAAAGAGATACCAAATAAA  
TATGCATACATTTCAAACCTATGTGTATTGAAAGCAGCACGTCGTCAGGGTATTGCTGGCAATATGTTGAAGTT  
TGCAGTTTTAACAGCAAAATCCAGGGGTATCAAACAGGTATACGTCCATGTACATAGAAACAACACACCCGCC  
CAAGCATTGTACCAAAGATAGGCTTCGAGGTGGTGCAAATAGCAAGTTCACAGTTGGTAGAAGAACAACCT  
TACCTTCTATGTCTTAACACAGAGAAGCTAAACAATGCACATTGATGTTGATATTCAATTTATAAAGGTCCTA  
GTATCGACAATTGAAACTCACAAAAAGTATGAGCGCAATAAAATTTGTTGTGTGAAAGTAAAGTCAATTCTA  
CCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_844 XM\_002893017|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* jacalin lectin family protein, mRNA

GCCTGTCATGTACATGGGACCTAATGTTATCAAGTCACTCTCATTTTCATACTACAAAAGCGAAGTATGGACCAT  
TTGGAGAGGCACAAGGAACGCCTTTTAGTACCAACGTCAAGGAGGGGAAGATTATTGGATTTTCATGGAAGGA  
AAGGTTTGTTCTAGATGCTCTTGGTGTGCACTTAGTTGAAGGAAAGGTGACCCCGCTGTCACGTCCTCCCGC  
CAGCGATATTATTCTGCTGCACCGCCACTTCTTGAAAATGGTAATGCCCTTGGACTATGAAACTAGCACCGT  
CAAAAGGAGCACTGAAGAGATTGCTCGTGGTGTAGTTAAAAAACCAGCACCTGTGGACCTGGACCATGGG  
GCGGAGATGGCGGTAAACCATGGGATGATGGAGTATTTTCTGGCATTAAACAGATATACTTGACACGGTCTCT  
TGAAGCTTTTTGTTTCGATTCAAATTGAATATGATCGAAACAAACAATCAGTTTGGTCAGTTAGGCATGGAGGA  
AACAGTGGAACAAACGTACATCGGGTAAAATTGGATTATCCACATGAAGTGTTAACATGTATATCAGGATATT  
ACGGTTACATCGGTAAAGACGAGAGACAACAAGCTGTAAAGTCGCTTACATTTACACAAGCAGGGGGGAAGT  
TCGGTCCTTTGGGGAGGAGGTAGGGTCGTTTTTCACGTCAACGACGACAGAGGGCAAAGTAGTTGGCTTCC  
ATGGGAGAAGCAGCTTGATTTGGACGCCATTGGAGTTCACATGCAACACTGGCTAGGAAGCCAAAGGGCAT  
CCAGGTCGTCCTTTTCAAAGTCTGATATGAAACTGAGAATTAATAAAGCTGGGGATGGAGCAATATGAT  
TACGTTAATAACAATTCTGGAAAAGTGAGATTCTTCAACTTTTTCTTGTCTTCCATTTGCATGGAAAAGAAT  
GTTTGGCCTAATCAATGACGCTTATCATATTATTTCTGGATATGATATTTTCATATTCCTCTCTTACAAACATCAC  
TTAGTTTGATCATTCTAAACATCCTCCATCCTTATCCTTTTCATCTGTAGATTAAACCTTCCCAAACGAGTTGA  
TACTGTTTGTGAAATGTAATAAAAAATTGAATGTGATAAAGCATATTGAGTGACTTTTTTTAAGTGATTAAAAA  
GTCATTCCAAGTAGGTCAAAGTTATTTCTGGAGGTGTGTTGATTATGTGTAATATTGTGATATAATATTATGT  
TGTAATGAGGTGGAGGGGATGATT

>trans\_c\_845 EF520125|Ageratina adenophora class I low-molecular-weight heat-shock protein  
mRNA, complete cds

ACACAAACCCATCTCAGTTTCTCTCAAGAACACCAAAATAAACGAAGTTTACACATACCAAAAAAGAGATAAA  
GAAGAACACACATATTAAGAAAGAAATGAAAAAAGAAGATGATATATTCCAAAGATGACCTCTTAGGAAAT  
GATAATAATGATATTAAGAATTTTGAAGTCTTCTGATCTTCAAGCTCTGGCCTTGAATGGAATGGCTCTG  
ATGATGATTTGGTGGTAAATAGCAGCCAAAGCAGCTCCGATGAAAGGTCCCACCCAGAAGATCCAATGGTCA  
TCCCAAGCGTGTTGCTGTTGTAGATGATTGCAGCTCCGAGACTCCTGGCCGATTAATGCCGGTTCGGGTGA  
TGGGAATGGTGGCCAAATGAACCAAAAACACTGCAACCCAATGGGAAGAGGAGCCAAAATAGGGACGTGA  
GAATCTCTGGCATTCTCTTAGCATCGGTGGCGGAGAAGACGGTGTAGACGAGCCTCGTGCCGAATTCGC  
AACCCTAATTCTACCAAGATCATTGTTGAATTCATCAAAGCGCTTCTAAGTTTCGATTTCATTCTCCAATTC  
AAGTCCGATTAAGTTGTTCAAACCTAACCTACGAAGATGTGATGATTCCAAGCTTTTTCAATGGCCGACAGA  
GCAGTGTCTTCGATCCATTTGCCACGTTGACCTCTCAGATCCATTCGATTTTCACTTCCCTTCTCAATTTTCATC  
TCACTTTCCCGAAATCGCTCGAGAACTTCAGCTATAGTGAACGCTCGTGTAGATTGGAAGGAGACGCCGGA  
GGCTCATGTTCTGAAAGCCGATCTGCCTGGACTGAAGAAAGAGGAAGTGAAGTGGAGATTGAAGACGGAA  
AAGTGATTGAGATTAGCGGCGAACGAAATGTAGAAAAGAGGATAAGAACGAGAAATGGCATCGGATAGAA  
CGAAGCAGTGGAAGTTTCAGAGGAGATTTAGGATGCCGGAGGATGCGAAAACGAGAGGAAATTAGGGCATC  
AATGGAACCGGAGTTCTTACTGTGACGGTCCCGAAGGCGGAAGGAAAGAAAACAGATGTGAAATCCGTTG  
AGATTTCCGGCTAACTCCGAGTTATCATGTGAATTTGTAATAATGAATCCATGTAACTGTCTTTGTGAAAT  
CTGTACAAATTACTTTTGTAAATATGAATAAAAGAATCCATATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_846 XM\_002329656|Populus trichocarpa argonaute protein group (AGO911), mRNA

AACGTGGCCTTAAAAATAAACGTTAAGGTTGGGAGAAGGAATACGGTACTTGTTGATGCTTTATCTAGGCGCA  
TACCCTTGTTAGCGATCGACCTACCATTATATTTGGTGCCGATGTAACCTATCCTCACCCAGGAGAAGACTCG  
AGTCCATCCATTGCTGCTGTTGTTGCTTCTCAAGATTGGCCCGAAGTTACAAAATATGCTGGTTTGGTTAGTGC

TCAAGCCCACAGGCAAGAACTTATTCAAGATCTTTTCAAACATGGCAGGATCCTGTTAGGGGGACAGTAACG  
GGTGGAATGATCAAGGAACTCCTCATCTCCTCCGTCGAGCAACTGGACAGAAACCTCAACGCATTATATTTTA  
CAGGGATGGGGTTAGCGAAGGACAGTTCTACCAAGTTTTGTTGCATGAGCTGGATGCCATTAGAAAGGCATG  
TGCTTCTTTGGAACCAAACCTACCAACCTCCAGTGACATTTGTTGTGGTACAGAAGCGACATCACACTAGATTGT  
TTGCTAATAACCATTCTGATCGCCATGCGGTGGACAAGAGTGGAACATATTACCTGGCACGGTTGTTGATTC  
TAAAATTTGTCACCCTACGGAATTCGACTTTTACCTTTGCAGTCATGCCGGAATCCAGGGTACAAGTCGTCCTG  
CTCATTACCATGTTCTATGGGATGAGAACAAAGTTCACTGCTGATGGATTGCAGACTCTAACGAATAATCTTTGT  
TACACATATGCTAGGTGTACTCGCTCCGTTTCTATTGTGCCCCAGCGTACTACGCCCATCTTGCTGCTTTCCGA  
GCTCGTTTCTATATGGAACCTGAAACCTCTGATAGTGGGTCAATTAGCAGTGATGCTGCTGCTGGACGTGGTG  
GCGTTGGTGGTGCTCGCAGTACACGGGCACCAGGGTTGAATGCTGCTGTTGACCTTTGCCAGCTCTGAAAG  
AGAATGTTAAGAGGGTTATGTTCTATTGTTGATGACTTGTTTTTATTTACTACCACTAGTTTCTCTCCAAATCCT  
AAGTGTGTCGTTTGTCTTCCCGAGCTTTGGTTTGAAGGTCTCAAACCTCTCCCACTCGTGTGTGATTAAC  
TTAACACTTGGTTTTCGCAGCTTGCTTTTGTATTTCTGTGCTTACAACCTCTCAAATTGGTGGCTCATGTCTCCCT  
TTGGTGCCATGCTTTGCCTTCCATTTGAGTCTTATTATGTCAAACACCAGATTTTATACTAGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_847 DQ631803|Mangifera indica 6-phosphogluconolactonase mRNA, complete cds

ATTATATATTAGTTTCGTGCCGATGCTCGTTTTCTCCGCCTTCCTCAGTTTCTTCTTCTTTGCAACTGCAACCC  
ACCTTCCATCTTTCTTCTAATCTGCGATTTGTAACCTTTGTGAATTATGGCTCTATGTGGGGATCATAAAGATA  
GAGAAGTGAGGATCCATGAAAGTTTGGAGGAGCTAAGTACTGATTTAGCTGACTATATTGCTGAATTATCAGA  
GGCATCTGTGAAAGAACGTGGGGTGTTTTCTATTGCGTTATCTGGTGGTTCTCTGATTAGCTTAATGGGAAAG  
CTCTGTGAAGCTCCTTATAACAAGACTGTCGACTGGGCCAAGTGGTATATATTTTGGGCTGATGAACGTGTTG  
TTGCAAAAAGCCATGCCGACAGCAATTATAAGCTTGCAAAGGATAACCTTCTTTCCAAGGTTCCAATTGTTCCC  
AGCCATGTACACTCGATCAATGATTCAGTGTCAGCTGAGGAAGCTGCTGATGAGTACAAGTTCGTCATTTCGAC  
AATTAGTTAAATCCCGCATCGTAAGTGTGTCCGATGTGAGTGACAGCCCCAAGTTTGACCTCATACTACTTGGA  
ATGGGTTCTGATGGTCACGTTGCCTCATTATCCCTGATCACTCGGTGCTCGAGGAGAAAGATGAATGGGTTG  
CCTTCATCACCGATTCTCCAAAACCTCCACCAGAGAGAATCACCTTCACATTGCCTGTGATCAACTCTGCATCAA  
ATGTGGCAATTGTTGTGACAGGTGAAAACAAAGCAGAGACCGTACATTTAGCCATCGACGACATAGGACCAG  
ACTGCCCCACTCTACCTGCAAGGTTGGTACAGCCAAGAAAAGGAAAACCTGACATGGTTTTTGGATAACAACGC  
CGCTTCAAACCTCGACAATTACCAATTTCCGAGTAGGCTTAAACCGGTCCCAACACAGTGATCTCTGTATGT  
AGTTGATGGATTCAGCAGTTGTGGATCCTTATCTCTTCATTTAGTCCCACATTAAATTTCAACCCCCCTTCCC  
TTTTAATTTTGGGTACATTCTCCATATTTGACTTCTCTTCATCTCTTTTCTCGAGTGATTAGAAGTGTGAATCT  
CCTTTTCATTTTGTAAAGCAGAGCTAAATAAGTTAATATCAAAGCAGATGGTTTTGTAGGACAATTGCTGCTAT  
GTATATTTTGAAGCCAGCAGAAACATCAATCCAAATTTGTAAAAGCAGCATTCTTCACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_848 XM\_002890819|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 4 (ERD4), mRNA

AAAAAAGTTGACAGCATAGAATTCTACTCTGAAAAGATCAATGAACTACTACCAAATTTGGAACTGAACAGA  
AGGCTACTCTCAGAGAGAAGCAGAAGAATGCTGCTTTAGTCTTCTTTAACAACCGGACAACAGCAGCTCCTGC  
AGCTCAAACCTTACACGCACAAATCGTTGATAAGTGGACTGTCCTGGCAGCTCCTGAACCCCGCCAGATTATCT  
GGCCTAATCTTTACATAAATTTTATTCAGAGGCAAGTCAGACAGTATGTTGTGTATGTCATTGTGGCCCTGACG  
ATTTTCTTCTACATGATTCCAATTACTGCAGTTTCTGCTGTTACGACTCTTGAAAACCTGAAGAAGTTTCTGCCA  
TTTTTAAAGCCAGTTGTTAACATAGGTGCACTCAAGGCAATTTTAGAAGCTTACTTACCTCAGTTAGCTTTGATT

ATCTTCTTGGCTCTGCTGCCCAAGTTACTGCTCTTTCTATCTAAATCTGAGGGAATTCCTTCAGAGGGACATGC  
AGAGAGGGGCTGCTTCTGGGAAATATTTCTATTTACAGTGTTGAATGTGTTTCATTGGAGTCACTTTGAGTGGT  
GCACTGTTTCAAGACATTCAAGAGCATCCAGAAGGATCCAAACTCTTGTTCCTTGTGGCAAGTAGTCTCCC  
TGGCAGTGCAACTTTCTTCTTACCTTTGTGGCTCTAAAGTTCTTCGTTGGTTATGGTCTCGAACTATCTAGGAT  
AGTTCCCTTATCATTTTCCATTTGAAGAAGAAATTTCTTTGCAAATGTGAAGCTGATGTGAAGAATGCCTGGA  
CTCCTGGAGATCTTGGCTATGGAAGTAGAATCCCGGTGACTTGCTCATTTTTACTATAGTCCTCTGCTACTCCA  
TCATAACACCTCTGATTGTTCCATTCCGGTGTCAATATTTTTGGTCTTGGATGGCTTATTCTTCGCAATCAGGTAA  
CATAAATTGGTTGTAAAATGTAACAACCAAGCAATTTTCTGCCTTTTGGATCATTCTTTTGTGCTGTGTTTCAT  
GTATGACCTTGTTTTTACAGGCCCTGAAAGTTTATGTTCTTCTATGAGACCTATGGAAGAATATGGCCACAT  
ATATTCAACCGGATTGTGGCGTCTCTCCTGTACCAACTTACCATGTTTCGGTTTCTTCGGAGTGAAGAAATT  
CTACTATGCTCCAATCTTAATTCCACTCCCCATAATCTCCCTGATATTTGCCTTCCTTTGTACAAAAAGTTCTAC  
CGATCTTT

>trans\_c\_849 AY104162|Zea mays PCO135861 mRNA sequence

AACCTTCTCAAACGCACTCGTTCCTCAGCTTTCTCCCCCTCGCGCTTTTCCAATTCAGCTTACATCTTCATTCTT  
CTCGATCTCCATAGCCCCACAAACCGAACTCGATTCAACAATCACCTCCACTACGTATACTACAGATCATTAGA  
CATCGACTAGCGATCTCGCCGTCGTCTTATTCACGGCGGTTGATTCCGGTATATCTAACCGATGCGATTCTCGG  
GTTGAGAATTATCGAACTCTAAGGGGATTAAATGGCGTTGCAAGAACAATTAGATAGGTTTAAAGAAACAGC  
AAGAAAGATGTCAGAGTACTTTGTCTGGCATTGCTGCATCCAAGTCTGTATCCAAGTCTACACCCAAGTTTACG  
CCTGCACCCGCTGCTTCCATTGCAAGACCTCTGGCTCCTGCTGTAAAATTTCAAATGATACTGAAAGACTTCA  
ACATATTAACAGCATAAGGAAGTCCCCAGTCGGGGCGCAGATCAAGAGGGTTATTGACCTGCTGCTGGAGAC  
AAGGCAAGCCTTTACACCTGAGCAAATCAATGAAGCATGTTATGTTGATATAAATTCCAACAAGGCTGTCTAT  
GATAGTCTGCGGAATAACCCAAAGGTGCACTATGACGGGAGGCGTTTCTCATACAAGTCCAAGCATGACCTG  
AAGGATAAGAATCAACTTCTTTACTTGATACGAAAATTTCCAGAAGGCATTGCTGTCATTGATCTCAAGGATGC  
GTATCCAAGCGTTATGGAGGACTTGCAAGCCCTAAAAGCCTCAGGCCAGGTTTGGCTTCTCTCAAACCTTCGATT  
CACAAGAAGATATTGCCTACCCAAATGACCCACGAATTCAAATCAAGGTAGACGATGATCTGAAGCAGCTCTT  
TCGGGAGATCGAATTACCTCGTGACATGCTTGATGTGCAAAAAGGATCTACAGAAGAATGGGATGAAGCCTGC  
AACCAACACTGCAAAGAGGCGAGCCAACGCACAACATGTAGCATCTCAAAACCCAAGCCGAAGAAAAAGAA  
GCAAGAAATCAGCAAGAGGACTAAGCTACTAATGCACATCTTCCCAGCTCTTCAAAAAGTACAGAACCGTA  
TAGGCTGGCCTGCAACAATATATTTGTATGGATAATTTATGGACTCTGTAGATAGGATTCAATCATTCTTCT  
GTTTGGTGTATTGCCTTCTATTTTCCATGATCTCATCGTAGAATGAAATGCTCCTGTAATTTACTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_850 NM\_116728|Arabidopsis thaliana RIC10 (ROP-INTERACTIVE CRIB MOTIF-  
CONTAINING PROTEIN 10) (RIC10) mRNA, complete cds

AAGATAGAGTGATACATAGATAGATGTAGATGAACAGAATACTTATCACTGACCCAATACCTAATCTTATTTGT  
ATTAAGTTCTCTTCTGCCATTGTCCTTCTAACTCTCTCAACCCTCTATTACCCCTTCATTTTGGAGGCCTTTCA  
TTGTCAATTTACCTTTTCTCCTCTTCTAACCCCATCCATTTCTCTGTCTTCTCCCTATAATGAACATCTTCCACTC  
CAAAATCTTACTCACTTTTGGATTTTACTCATTTTCAATTTCAATTTCTTCTGTTTTTTCTGTTTTTCTTAA  
ATGGGTTTTTCACTATTAGGCATTTTGAACCCCCAAATGAATGCTTTGGATCATTCTGTTTCCACCCAAAGGAATC  
GAACCTAACTACAGAAGGAAGCTCCAGCTCCCAATTGCTGGACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAG  
AAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGTCGGTTTTCTTTAGGTTTGGAGGGTAAAAGCAAAACCATTTG  
ATCTCCAACCTTCTTGGGGGTTCTTGTGTTGTTGATTTGCGATCTTATTGTTTAAAGGGGTTGGTTGTATTGTATC  
AGCTGTTGTATTGGTCTTTTGTGTTTCAAAATCATGTCCAACAAATTGAAAGGGATCTACAAAAGTTTCAAATA

CATTTCCCAAATCTTTGTGATGAAAGAACGAGAGATGGAGATTGGGTATCCTACAGATGTGAAACATGTGGCA  
CATATTGGATGGGATGGCCCTTCTGGTACAGCTCCCAGTTGGATGAATGAATTCAAAACAGCACCAGAGCATC  
TCTCTGCTGCGTCGTTTGGCGATATTAGTGATAGAAGAGATTCAAGTTCTACTGCTGTAACAGCTCCTACAACA  
TGGTCTTCTCTTGATTTTGATCAAGCAATGCTACGCCAACAAACATCCGACTTCTTTGGCGAACTCCACGGAC  
AGAAATTCCCAACCTTCTATAAAACCAAGAAAAAGACCAGAACTTCTCTCCAAAATCTTCTCGTCAAAAT  
CATCTCGAGTATCAAAGACAAAGCCATCGTCCTTCGGTGAAATCAAGATGGTACCGAATTTGCAAGCTAGAA  
CTGTCATCATAACTCTAATACACATGTGCAAAGGAATAGAAAACCAGTCTATATGCGTAGAGAATCAGTCTGT  
CTGTTTTTTTTATCATATCAGGAATGGTGTAAATTGTTTCAACTGGAGTGTAATCAGACGAACAATAAACGTA  
GTAGTGGTC

>trans\_c\_851 X79365|C.sativus MFP-b mRNA

CAGGTCCCCGTGCTGGACTTCGGAAGGAGATTGAAGATTTTCAAGTGCTACTGCATGCTGATACCAGTAAAAAG  
CTTGATTCATATTTTTTCTGCTCAGCGTGGAACAACAAAGGTACCTGGAGTTTCTGATCTTGGGTTGACGCCAAG  
ACGTATTAATAAAGTTGCTGTTATTGGTGGGGGATTGATGGGATCTGGGATAGCTACAACATTGATTCTTAGC  
AACTATTCTGTGATTCTTAAAGAAGTAAATGAAAAGTTTTTGGAGGCCGGTCTTGGCAGAGTCAAAGCCAATC  
TACAAAGCCAAGTCCGCAAGGGGAAAATGACTCCAGAAAAATTTGAAAAGAACATTTCCCTACTCAAGGGTGT  
CCTTGACTATGAAAGTTTCAAAGATGTGGATATGGTGATTGAGGCTGTTATAGAGAACATCTCCCTGAAGCAA  
CAGATCTTCGTTGATCTTGAGAAATATTGCCCTCCACATTGCATACTTGCTACCAATACGTCCACAATAGATTTG  
GATCTGATTGGAGAGAAAAACAAAATCTCATGATAGAATTATTGGAGCTCATTTTTTTAGTCCAGCACACGTCAT  
GCCACTATTGGAAGTTGTTCTGACTAAAAGGACAGCTCCTCAAGTAATTGTTGATTTAGTAGATGTCGGAAAA  
AGGATAAAGAAAACACCAGTTGTTGTTGGCAATTGCACTGGTTTTGCTGTCAATAGGATGTTTTTCCCATATAC  
TCAAGCTGCTTTGTTACTTGTAGAACATGGAGTAGATCCATATCTGATCGACAGGGCAATTTCTAAGTTTGAA  
TGCCAATGGGTCCCTTCAGATTGATTGATCTTGTTGGTTTTGGGGTAGCTATAGCAACCGGTGGTCAGTTTGT  
CAGAATTTTCTGATAGAACCTTCAAATCTATGATAATTCCTCTTATGCAAGAGGATAAGAGAGCAGGTGAGA  
CAACTCAGAAAGGTTTTTATCTCTATGACAAGAACCGCAAGTCTAAGCCAGATCCTGAGTTAAAGAAGTATAT  
TGAAAAGGCTAGGAGCATGTCTGGCATTCTGTAGACCCTAAGCTAGCGAAATTATCAGATAAGGACCTCATC  
GAGATGATATTCTTCCCTGTGGTGAATGAAGCATGCCGTGTAATCGCCGAAGGAATAGCCGTCAAAGCAGCA  
GACTTGGACATCGCCGTGTAATGGGGATGGGTTTTCCACCTTACAGGGGAGGAGTGATGTTTTGGGCTGAT  
TCTCTGGNATCAAAATACATATAT

>trans\_c\_852 X67600|L.peruvianum Lp-hsf8 mRNA for heat stress transcription factor 8

CTTCTTCATTCTTCACCTCCAAAACCCTCCGATTCTTCTCATTTTCATCTTCAATTCGAACCCTCTTTACCTCCTGAA  
CATGGGATTTCTCCGTTTTTTCACATTTCGAAACCCTAATTTTCTGATTCTCTATTTTCTGTTTCAATTGTTTGTAT  
TTCTTATTGTTCTTGTGTTTTTTGACCGTGAGATGGACGGGACTGCTAATGGTGGTGATTCTGGATTGGCTCC  
GGGAGTGGAACCTCTCATCCGACGGTCCGGCTCCTATTACTAATTCTAACGCGCCTCCACCGTTTCTGAGTAA  
GACATATGATATGGTGGATGACCCGGCTACCGATGCGGTTGTGTCTGGAGCCCTACCAATAATAGTTTTGTG  
GTTTGAAATCCGCTGAGTTCGCTAGGGATCTTTTGCCTAAATACTTCAAGCATAATAACTTCTCCAGTTTCGTC  
AGGCAGCTCAACACCTATGGATTCAGGAAAGTTGATCCAGACCGTTGGGAATTTGCTAATGAAGGCTTCTTAA  
GAGGTCAGAAACACCTGCTTAAGAGTATTACCCGGCGAAAACCTGTCCATGGGCAAAGTCAGCAACAACCAC  
AGCAGTCTCATGGACAAAGTTCCTCAGTTGGAGCTTGTGTGGAAGTTGGTAAGTTTGGTTTGGAGGAAGAGG  
TTGAGAGGCTTAAAGAGACAAAAATGTCCTCATGCAGGAAGTTGTGAGACTGAGGCAGCAGCAACAGACCA  
CTGACAACCAGCTGCAAACTATGGTACAGCGTCTACAAGGGATGGAGCAGCGACAACAGCAGATGATGTCAT  
TCCTTGCCAAGGCTGTGCAAAGTCTGGCTTTTTGGCTCAGTTTGTGCAGCAGCAAAATGAAAGTACTAGACG  
CATAAGTGAAGCTAATAAAAAGCGAAGGCTAAAGCAGGATGGAATTGGGGAGTCTGAACATTCTCCTGTTCC

TGATGGGCAGATTGTGAAGTATCAACCTCTCATGAATGAGGCAGCAAAAACAATGCTGAGGCAGATAATGAA  
AGTAGATACTTCACATTTGGATTCAATTGAACAACAACACCGACAGTTTTCTAATTGGCGATGGTTTGCAATCGC  
CGTGACAGCTATGGACAATGGGAACTCTCCAGTTCTGTATCAGGCGTGACTCTTCAAGAGGTACCTCCGAC  
CTCATCTTTTAATTCAGCTGCTTCTGGTGCTCCTCATGGCCCCTCAACAGCCAAATCAGAAATCAATCGTCCCC  
CCAAGCTACAAATTCTGACA

>trans\_c\_853 XM\_002889386|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphoribulokinase/uridine  
kinase, mRNA

GGATATGGTTGAAGATGGCTTCGAGCGCTTGAGTCTCTTGAATTAATCAGTTTTCCATGGAGTTTCTAGTTT  
CGAGTTAAATTATTTTCATGAACTCAACATTCTCTCTCATAATCCGCCATGGAAGCTTCGTTTTCTCTAGCTG  
CCGCAAAAGGAATAAATTTATCTGCAGAATTGGTTTCTTCGTGAAGGAAAAACCTGTACCAAGAGATCATAA  
CTTTCTGTCATTCAATTCAGCCTATAAGTATCGATCACTGCACTGTGGTCGGACTAAAGGTTTCTGTAGGAAGA  
ATAAGTGTGTGACTGTTTTTTGCAGCCAAAAGAGAGAATTTTCTGTTGTAGAGGGCAGGTGTATAGATGACAT  
ATATGATGATTTAGCAAGGCGTCTTCTTCCAACAGCAGCAGCAGCTTCAGATTCTGATCTTAAATATATTGTAG  
GTTTGGCTGGTCCCCCTGGTGCTGGCAAAACCACTATAGCATCTGAAGTGGTGCAACGTTTAAATAAGTTATG  
GCCCCAGAAAGCTTCTCAATGGATTCTCAAGTAAATCCTGCTGATGTTGCTGCTGTTCTCCCTATGGATGGTT  
TCCATCTTTATCGTTCTCAGCTTGATTCAATGGAGAATCCGGAGGAAGCGCATGCAAGACGAGGAGCTCCTTG  
GACATTCAATCCTCAGCTGCTACTTACATGCCTCAAGACACTAAGAAGTCAGGGATCAGTATATGCACCATCGT  
TTGATCATGGCGTCGGTGATCCAGTTGAGGATGACATCTTCGTGGGCCTTCAGCACAAGGTTGTTATAGTAGA  
AGGAAATTATTTACTCGACGATGGGGTTTGGAAAGAAATCTCATCAATGTTTGATGAGAAATGGTTTCGTA  
GAAATAGATATTGACAAATCGATGGGACGAGTTCTCAAAGACATATTTCAACAGGAAAACCTCCTGACGTTG  
CCAAATGATTGAGAACAATGACCGACCCAATGCCGAGCTCATAATGAAGTCCAAGAAGAACGCAGATTTATTA  
ATTAGGTCAGTCGATTTCTGAATGTAGAATTTAACTTTCTTTACTGTTGGAGAACTTACATCTCCTGCATACCT  
TAGAATTGAATTTTCTTTTCATCTGCTCTGTCTTAAGACCTTTCCAAGCTCTGGAGGTCATTGATAAGGA  
ATCAAAATAAATTGGAAGCCCTGAAAATCAGAGGTTATGTTTAAGAAATATTAGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_854 NM\_001050608|Oryza sativa Japonica Group Os01g0717000 (Os01g0717000)  
mRNA, complete cds

AGAGATGATGAGATAAGAACGTTTGAATGCTTGTCGAAACATGGTCAAGGACCTCGTCTTCTTGGGCGATTCT  
CTCACGGAAGAATTGAAGAGTTCATCAATGCGAAGACACTATCAGCAAGTGATCTTCGAGATCCAAAAATATC  
AGCAATAATAGCAAGTAAATTAAGGGAGTTTCACAATCTTGACATGCCTACTCCAAAAAAGGTTGCCCTTTGG  
GATAGAATGAGAAATTGGGTAAGTGAAGCCAAAAGATTAAGTTCACCACATGAAATGGAAGAGTTTTGCTTG  
GAGAAATTGGATGAGGAAATAGATTTGCTTCAAAGGGAACTCTCAAAGATTCTCAACATATTGGCTTTTGTC  
ATAATGACTTGCAATATGGCAACATCATGATGGATGAAGACACATCATCAATAACCTTATTGATTATGAGTAT  
GCAAGTTACAACCCAATAGCTTATGACATTGCAATCATTTTTGTGAAATGGCAGCAGATTACCACTCTAAGAC  
TCCCCATATTTTGGACTATACATCATACCCAGAAGTTGAGGAACGTAAAAGATTTGTTAGAGCATATCTGGCCT  
CATCAGGTGAAAATTATGGCAATGAAGAAGAAATGGAGCAGCTAGTAGAGGATGCCGAGAGATACACTTTA  
GCAAATCATCTCTTTTGGGGCTTGTTGGGCTATTATTTCAAGGCCACATAAACAAGATTGATTTTGACTACTTTGA  
GTATGCTAAGCAGAGGTTTGAACAATACTGGCTAAGAAAGTCTGAGCTCTTGTTTCTTGGTCACCTTTATCTC  
AACTTGAATGGATATGAACAAAGGCGTCTCAACTATACATATGAATTTGAAGAAAGATGTCAAGATTCAACTT  
TATATTTATAATAAAAGAAGTCTCATTAAATGAAAACAAGTCGAAGGAATTACACAAGAACCAAGCTTGATTT  
AAGGAACAAAGATTTACAAGCTACTTCAAGTGAGGCTTCATTAATTTATTCTGCATGATTACAAATTCATGG  
TTGAATGATTAAAAATAAATATTTTCGGATGTATGGTGTCTATTAAACGTATTTTAAAGTTTATTGCTTTGTA



GGTTACATATAGCCTATTAATAATCATAAAGTTGAAATATGAACTCTTACAATGCCTCATACAATCTCTAAGGTTT  
CATTTGGAGGCTATATAAAGCGATGTAATTGTTATATGAATAATATGTTAAAGAAATTATAAACTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_855 AJ006378|Lycopersicon esculentum sbt1 gene

GAGGGAACAATTAGCCGATGCACATCTCATACCCACGGCGGCCGTCGGCCAAGAAGCCGGCGACGCAATAAA  
GAGCTACATCTCCTCTGATTCAAACCCAACAGCAACAATCAGCACCGGCACCACAAGATTAGGAGTTCAACCG  
TCGCCGGTGGTGGCCGATTTCAGTTCTCGTGGCCCTAATCTCTCACTCCACAGATTCTCAAACCCGATCTGAT  
AGCACCGGGTGTGAACATTCTGGCTGGATGGACCGGCGGCCGCTGGACCAACTGGTTTAGACAGCGATAAGC  
GGCACGTGGCCTTCAACATCATCTCTGGGACATCAATGTCTTGTCTCACATCAGTGGATTAGCCGCTCTTCTT  
AAAGCCGCTCATCCAGATTGGAGCCCAGCCGCTATTAGATCTGCCCTAATGACCACAGCATACTCCACATACA  
AAAATGGCGAAACGATTCAAGACATATCCAACGGATCACCATCAACGCCGTTTCGATATCGGAGCCGGACATGT  
AAATCCAACGGCTGCCCTCGATCCTGGCCTTGTTCAGATACCACCACCGACGATTACTTGGCCTTCTCTGTG  
CCCTAAACTACAGCTCACTCCAAATTAAGTAATCAGCAAGAAAGATTTACATGCAATGGAAACAAGAACTA  
CAAATTGGAGGATTTGAACTACCCTTCTTTGCAGTTCCATTAGAAACACCTTCCACCAAAAGAGGTGAAAATG  
TTGCTCCGACCACCGTAAAAATATACGAGGACACTGACCAACAAGGGTGCTCCATCGACGTATAAAGTGTCAGT  
GACGGCGAAAATTTTCGTCAGTGAAGATTGTGGTGGCGCCAGAATCATTGAGTTTTACAGAGGCCAAACGAGCA  
GAAGAGTTATACAGTGACTTTTCATTGCTTCTCCAATGCCGTGCGGGTCTCAGAGCTTTGCTCGTCTGGAGTGGT  
CAGATGGGAAACACATTGTGGGAAGCCCCATTGCTTTCACCTTGGACTTAACTTCAATACCCACAAGAATCTTCC  
ATAGAATTGAAACAAGTATTCTCCTTATGACTTGTATTGTTTAGTATTGTCTGTCTAGCCAGTGTTTAACCAT  
ATTATATATTCATGGGAAAGGAAAAATAGAAAGAAAGAAAGGTGGCAAAAAAATTGTACAGAAAATTCTA  
GCAGATTTGGCTTCTTTTACAAGTTTATAACATCAAATCAAGAATCCCATTCTCTTCGTTTACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_856 AF508278|Lilium longiflorum COP8-like protein mRNA, complete cds

GGCAGCGCTCGGGCGTGCCAATAAAACCGTTTTGATTCTTTCTTCTCTTCTTATTATCACCGTTTTTCATTGTTG  
AGCCGACACGCCAACGATCTAGAATCGGAAAATAGAAGCGTTTCCTCCATTCCCGGGAGGAATTAAGTGGT  
GGTGGAGAGTGGATTTTCTTGGGCTAGGGTTTCTAACAGCCGGTGCTTGAAAAGTTGAATAGCCATGGAGA  
GCGCCTTTGCGAGCGCCTCTGCTATATCAGACCAGAGGCAGAAGATCGAACAGTATAAACACATTCTGTATAA  
TGTATTGTCGTCGAACGATAGGGTTCAAGCCAAGAAGTTTATCGATCACACACTATCCGACGAAGTTCCACTT  
GTAGTTTCGCGGCAGCTCTTGCACTCTAGCGCAAGAGTTGGGGAAGTTGGAGGGGGAGATTAGAGAGA  
GATTGCCCATACATCCTCGCTCAGATTCAGCCGCGAGTCGTCTCTTCGAGGAGCAGGTGCTGATTATTCGG  
GAGAAGCTTGCTGAATTGTATGAATCAAAGCAGCAATGGTCAAAGCTGCACAGATGCTCAGTGGCATCGAT  
CTAGACTCTGGAATGAGGGTGATTGATGAGTCATACCGTTATCAAATGTGTTCAAATTGCTCGTTTATACCT  
TGAGGATGATGATGCTGTTAATGCTGAGGCCTTTATCAATAAAGCTTCATTTTTGGTTAGCAATAGTCAGCACG  
AAGTCCTTAATTTACAATACAAGGTTTGTTATGCTAGGATCTTGGACTTGAAAAGGAAGTTCTTGGAAGCAGC  
ACTTCGTTATTATGATATATCCCAAATTGAAAAGAGACAAATAGGAGATGAAGAGATTGACGAAGAAGCATT  
GGAACAAGCTTTATCTGCTGCAGTGACGTGTACAATATTGGCTGCTGCTGGTCCACAGAGATCCCGAGTTCTT  
GCCACATTATACAAAGATGAACGTTGCTCGAAGTTAAAAATCTATCCAATACTGCAAAAGGTTTACTTAGAAA  
GAATTTTGAGAAAACCAGAAATTGATGCATTTGCTGAAGAGCTAAACCTCACCAGCAAGCCCTTCTGCCAGA  
TAATTTTACTGTGTTGGATCGTGCTATGATTGAGCATAATCTTCTAGTGCAAGCAAACCTTACACAAATATAA  
GTTTTGAAGAATTAGGCACTTTGCTGGGTATTCCTCCTCATAAGGCTGAGAAGATAGCATCAAGAATGATATA  
CGAGGACAGAATNGAGGGGATCGATTGAC

>trans\_c\_857 XM\_002879612|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADK/ATPADK1, mRNA

TTTTTTTTTTTTTCTCTATTTGCAAAAACCTCCCAAATCTGCACCGTCCACTCATGGCGGTGCTCAACCGCTTTG  
CCGGAGCGAGGGCGCCGGCGACCTTCTATTCTTCCATGTTTAACTATTATGCTCTGTGGAAGGCCTTTCTTCT  
TCTTCTTTGAGTTCTGAAGTTGACCTTAAATCGACTCTGCTGAGCCGGAGTTCATCTTCGCGGCCTGATCGTCC  
GATGGATAGGAATGTGCAGTGGGTTTTCTGGGCTGTCCTGGTGTGGGAAAGGGACTTATGCATCTCGACTT  
TCCAGTTTGCTTGGTGTTCCTCATATCGCCACCGGTGATCTCGTCCGTGAGGAGCTTTCCTCCTCTGGTCTCTT  
GCTTCTCAGCTCGCAAAGATTGTTAGTCAAGGAAAATTGGTTTCAGATGAAATTATATTGATTTATTATCCAA  
ACGTCTTCGAGCTAGTGAAGCTAAGGGTGAATCTGGCTTTATTCTTGATGGTTTCCCTCGGACTATTAGACAAG  
CGGAAATATTAGAAGGGGTCACTGATATTGATTGGTGGTTAATCTAAACTGCGAGAAGAAGCACTGCTCG  
CAAAATGTCTTGGTCGGAGAATATGCAGCGAGTGTGGAGGAAATTACAACATTACATGTATTGAAATCAAGG  
ATAAGGAAGGCAGACCTGAATTATACATGGCTCCCCTTCTTCTCCCCTAACTGTGCATCTAACTTATCACAC  
GATCTGATGATACTGAAGCAGTTGTGAAGGAACGACTCCGAATATACAAAGAAACGAGTCAACCTGTTGAGG  
ATTTCTACCGTAGGCGAGGAAAGCTATTAGAGTTTGATCTTCCCGGAGGGATTCCCGAATCTGGCCAAAGTT  
GCTTCAAGCACTTAATCTTGAGGACCTCAACCACAAACAATCAGCTGCAGCCTAAAGTATGGTTCTTTCTTGTA  
TGGTAGTCAATATAACATATATTCTTTTGCATTTGAAATTAAGTGCACCTTACTGCTTTTTATTAGCTCAAAGTT  
GGAGTAAATAAAATTGTAATAACTGGGAAGTGGGTACACTCTTGATTAATAATAGCATTAGTCTTTTTTGAAA  
ACTAAAAATTAGAATTGTCAATAGATATTTTCTATAGAAGAATAGCCTAATGATGTAATCTCTTTCACAGATATT  
TTGATTCTGTTTCTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAACAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_858 M33148|C.vulgaris glyoxysomal malate dehydrogenase mRNA, complete cds

CATATAATTTGACCCGCCAAGCATTTTCTCTTCCCAACGCCAACTTCCCAAAGTTTTCTGATCTTGGAGCGGTG  
CCTTTGTTTTCTGTTCTGTGCTACTAACCATGCAGCCGATTCTGATGTTAACCAGCGCATTGCTCGAATCTCTGC  
TCATCTTCATCTCCCAAGTATCAGATGGAGGAGAGTTCAGTTTTGAGGAGGGCGAATTGCCGGGCCAAAGG  
CGGAGCTCCTGGGTTCAAGTTCGCAATACTTGGGGCTGCCGGTGGCATTGGACAGCCACTTGCGATGTTGAT  
GAAGATGAATCCTCTGGTTTCTGTCTACATCTATATGATGTAGTCAATGCCCTGGCGTCACTGCTGATATTA  
GCCACATGGACACGGGTGCTGTGGTGCCTGGATTCTTGGGGCAGCAGCAGCTAGAGGCTGCGCTTACTGGCA  
TGGATCTTGTTATAATCCCTGCAGGCGTTCCTCGGAAACCAGGAATGACAAGGGATGATCTATTCAAATAAA  
CGCAGGAATTGTCAAGACTCTTTGTGAAGGGATTGCAAAGTGTGCTCCTAGAGCCATTGTCAACCTGATCAGT  
AATCCTGTGAACTCCACCGTGCCATTGCAGCTGAAGTTTTCAAGAAAGCTGGAAGTTATGATCCAAAGCGAC  
TTCTGGGAGTTACAATGCTTGACGTCGTCAGAGCCAATACCTTTGTGGCAGAAGTATGGGTCTTGACCCTCG  
GGATGTTGATGTTCCAGTTGTTGGCGGTGTCGCTGGTGTAAACATTTTACCCCTTCTTCTCAGGTCAAGCCTCC  
AAGTTCTTTCACACAAGAAGAGATTAATTACCTGACCGATAGGATTCAAAATGGTGGAACAGAAGTTGTTGAG  
GCCAAAGCAGGAGCTGGTTCAGCAACTCTCTCAATGGCATATGCTGCCGTTAAGTTTGAGATGCATGCCTCA  
GGGGCTTAAGAGGAGATGCTGGTGTGTTGAGTGCCTGTCGTTCTCAGGTGACTGAAGTTCCATTCTT  
TGCAACAAAAGTACGACTTGGCCGCAATGGTATAGATGAAGTATACTCCCTTGGCCCGCTAAATGAATACGAG  
AGGATTGGATTGGAGAAAGCAAAGAAAGAGTTGGCAGGAAGCATTGAGAAAGGAGTTTCCTTCATCAGAGG  
CTGAAGAGAGGCCAATTACCATTAGCTTTAATAGAAACATTCCGTCTCTTATAGATTACTCGTGCCACATGTTCT  
TCCGAGAGATTGATGTTGAAACCAAC

>trans\_c\_859 AY042793|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F8D20.20) mRNA, complete cds

GCTGTTACAGTTGCAAAGAGTGCCATGGACTTGGTTGCCTCGATTCTGAAGAAGCAGCTTATAAAGAAATAA  
ATCTGAGAAAGAACAAGCTGAAGAAACATGTCCAGTTCAGTTTCTGTACACAAAATATCAACCTCTTGAGAA  
TACTAAGACAGATGAAGAGTTAGCTCGCAAAATGCATCGGACAATAAACAGCTCCCCTAGAATTTTGAAGAAT  
TCATCTGGTTCTGACGTTAGAAGCCACAAACATAAAAAGTTGAAAAGCTCAACCAGCTCTGAGAAAATTAGGG

TTTCCAATTGTGGCATCTCACAGGATTTGGACCCTGCAACTACGTGCAATGGGCATGCTAAATCTAACGAGGC  
TGACTCTGAGTGTAGCTTCCAGGAGGTATACAAGCCCAAACCTGATGAGAAGACTAGTAAATATGAGAAGAA  
CAATCAGTCTCTGACGGATGATGGAGAAGAGACAAGTCAGAAGGAGAAAACGTGTGATGATATTAGTGTAC  
TATTA AAAAGAGGGGAAGAGTAAAGCTTAAAAAATTGCCCTTGAGTATTTGTTCTTTCAGGGACAAGACAACT  
CTAAAGGAAGATATGAATAATGGAAGTTCCTCAATATTGACTGTGCAAAACATGGGGTCTCCACATCTGAAA  
AAGTTATTTTACATTCTGTAGATAGCCCTACCGAAGGTGTGATGCCAATAGATTCTACATCAGTATGGAAATGC  
CAGGAGTTTAAAGCTCCCCTTTCTGTCAAACAAAATAAAGTTGTGCAGTCATGACTGGAAATGACATGTGGTA  
AAAGGTTGCTGCTAATAGAAAGTTGATAGTTGAGGTAGGATCCTTGCAACTTTTCTTATAGAAACGACTTTACT  
CCATCTGTCTTCCTTTTGATCCGCATGTCTTGTTCACGATGAACTGGGATAGACCAATTGTAAATTTTATATTA  
TGTGTTTGAATATTCTCCAGAGTTGAAAAGATTTCTTTACGACACAGAGCTTGAAGTCCAAATAAGTGAGGGA  
GGGTTACAATAAAACGAATACTCGAACACTCCTTGTTTTTCAGGAGGCATTTTTGTCTTAATTTTATTATATATA  
CTGAATATACTAAAAAGCAATGCCCGTGTATCTGTAGGTAAGATCTGTAGATGGTTGTTTCGTGGTCCTACTA  
CAGTTGTATCAATATATTACTCAATGATGTCCTCATTTATAGGAGTTTGTGGATTGAAGAAATTGAAGAAAATT  
CCAACAATTGTGTTTGGTACTT

>trans\_c\_860 NM\_121591|Arabidopsis thaliana ATPCME (PRENYLCYSTEINE METHYLESTERASE);  
prenylcysteine methylesterase (ATPCME) mRNA, complete cds

CAGAGAGAGACGTCATTGTAGCCTCCATTGACTATAGAACTTTCTCAGGGTACAATCAGTGACATGGTGAA  
AGATGTTTCTCAAGGGATTTCAATTTGTATGCCAGAATATAGCAGGCTATGGAGGAGATCTGGACAGAATCTTT  
CTGATGGGACAATCAGCTGGTGCACATATTTCTGTTTGTGCCCTCTGAATCAAGCAATCAACGAAGCCAGAA  
AAGGAGAGAGTGTAGATTGGAGCGTCTCCCAAATAAAGGCTTATTTGGTTTATCTGGAGGGTATAACTTGTT  
GAACTAGTTGATCACTTTGATAGTAGGGGTCTATATCGTTCTGTCTTTTGAGCATAATGGAAGGTGAAGAA  
TCTTTGTCCCAGTTTTCCCGGAAATAAGAATCCAAGATCCTAGTGTTAGTGATGTTGTTTCCAGTTTACCTCT  
TTTGTCTTTTCCACGGCACGGGTGATTATTCAATCCCATTTGGTGCCAGTGAACTTTCACGGAGACACTTCG  
GAAAGCAGGGGCACAAGCTGACTTATTTCTCTATGAGGGAAAACTCACACAGATTTGTTCTTCAAGATCCA  
TTTCGTGGAGGCAATTATGAACTTTTGTATCAAAATAGTTGCCATATTACATGCTGGTGACGAGGAAGCTCTTGC  
AAAGGATTCTATGGCACCACCAAAACCGCGCCTTGTTCCAGAGGTATTGATAAGATTGGCACGAATGGTTAGC  
CCTTTCTGAATCCTTCTCCATTGTCTTTCAGCTTTTCACAAACAAATGACCAATTTCTATGGGGTAATATCTGTG  
AATATTACCACTGTATTCACTTTGTGTGTTGGATATCCCGATGTATCATTGTAAATTGGTTTAGAAGCTCTTGAA  
TCCAGCTATTGCTGGAGAGTATTCAAAACCTTCTATTCGTTGTAGCATCATGGATATTTGTAGTGCCTATTGTTG  
GTTTAGAATTAGCAATCCTAAGATTGCCCATTGATTATGTATTATTGTTTGTTTAACATACTTAGCTATATAAT  
ATTTACCGATTGTTTTATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATTAACCCCCCCCCC  
CCGGGGGGGGCCCCCGCCCC

>trans\_c\_861 AC005964|Arabidopsis thaliana chromosome V map 60.5 cM, complete sequence

ATTGATGATAGCTCTTTTCTCTCCGGCATGGTTGCAATGATTATGCTCCGCACACTATACCGTGATATTTCAAA  
GTACAACGAACTTGAAACCTGGAAGAAGCTCAGGAAGAGACAGGGTGGAAGCTTGTCATGGTGATGTTTT  
CAGGCCCTCTAAGAATTCAGATCTGTTGTGTGTGTACGTTGGAACGGGAGTTCAGTTCTTGGGAATGGTTGTT  
GTAACAATGATGTTGCGCATCCTTGGGTTCCTCTCGCCTTCAAACAGAGGTGGACTTATGACCGCCATGCTCTT  
GCTCTGGGTCTTCATGGGTCTTTTGTGTTTGCCTCCGCTCGCCTCTACAAAATGTTCAAGGGTGCAGAAT  
GGAAGAAGGTTGCCCTGAAGACTGCCGTCATGTTCCCGCCACCATATTTGCTATATTCTTTGTTCTAAATGCT  
CTGATTTGGGGACAGAAATCGTCTGGGGCTGTTCTTTTGAACAATGTTTGCTCTAGTCTTTCTATGGTTTGG

AATCTCAGTTCCTCTCTTTGTGGGCAGCTATGTAGGGTTCAAGAAGCCAGCCATTGAAGATCCAGTGAAG  
ACAAACAAAATCCCCAGGCAAATCCCAGAGCAAGCTTGGTATATGCACCCAGCTTTCTCAGTTCTCATTGGAG  
GAATCCTCCCGTTTGGAGCCGTTTTCATTGAACTCTTCTCATCCTTACCTCAATTTGGCTGAACCAATTCTATTA  
CATTTTTGGTTTCCTCTCTTGGTTTTATTATCCTCCTCATCACTTGCCTGAAATCACCATAGTCTCTGCTACT  
TCCAGTTGTGCAGCGAAGATTACTTATGGTGGTGGAGATCTTACTTAACTTCAGGCTCATCTGCCCTTTATCTCT  
TCCTCTATTCCACCTTCTACTTCTTCACAAAGCTCGAAATCACGAAGCTCGTATCTGGGGTATTGTACTTTGGAT  
ATATGTCGATTGTGTCATACGCATTCTTTGTTCTCACTGGTACCATTGGCTTCTACGCTTGCTTTTGGTTCACAA  
GGCTCATCTACTCATCAGTGAAAATCGATTAATGAAGTCTAAGCAGATAATCATCGTTGTTGTCGTCGACCATT  
ATTTTGCTCCATTTACTTTTGCAGGATACCAAAATTATATTCTTGTAAAGATTTTGAAATCGAAGTATTACTATGA  
TGCTTTCAGATGTAGCCTGTTGTACTCAATTTGAATGATGACAATTCTGTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_862 NM\_126390|Arabidopsis thaliana uvrB/uvrC motif-containing protein (AT2G03390)  
mRNA, complete cds

AAATCATCAAGCAGCAAGAATCGAAAAAGGGGTAACTTCAAAGAGCGAAGTTCAAGACAAAGGTTTAAATA  
TCATTGTTTTACGCGCAGATTTGCAGAAAGGCTATTGAAAGTGAAAATTATGCTTTGGCTGCACAACTGCGGGA  
TGAAATTTCAAATTTGGAACTGAGTCCCTAGCTGCATCAGCAAAAGTTCTGGCTTACGAAAGTGCTGAATAT  
AGTTTTAGATTGGGACAGAAAGTGAGGCACAAAATTTTTGGTATTATAGTTGCATGCTTTTCACACCAGTGTTT  
CAGCTTTATTTAATTGCTTTGAGGACAAATATGGTAAGTGTGAATAGTACTCTAGTAAAAGACATGAATTTGG  
AGTATTCTATCAAATTACAATATTGGAGTCGCGACTATCATGGATTTTTAGATTGAAATGCACAGCATTACAGA  
AAGATTAGTAATGTAGAGAAGTTGGTAACATTCAAAAAGATCATTCTCATTCTCGCCATCACCTTGCAATTTTC  
ACTAGAGTGTCTGTCAAATATTTTCATCCTGGATCCTTCAATATGCCACACTTTCAACTATAGTTTTGTGTTA  
GCGTCTCTTTCTCATAGTAAACATTTTTCTATCAGGATACATAGGTGTGGTTTGTTGGAATGGATCCTGTGTG  
CTGTGAATCAAGTTCTTGGATGGAGATAGCACAAGTTGAAAAATTATCTCGAGGTTCTAATCAGCCATTTTATC  
AGGTTTTAGTCGATGTTTCGTACAGACCCAGATTTACTGGTTGCATATGTTGCCGAGGAAAATCTTCTTGCTCCC  
GAAGAACCAGATACGGAGAGGTTTCGACCATCCGTATAGTTCCTTCTTATTCTATGGAGTGGATTACGCCGGGG  
ATTTCAATCCTATAAAGCAACTACGAGAGAAGTACAATCGGCCTCGGCACGAAATTCCTTTTGATCCTCAAGAT  
GATGAGCAACAGGGCGACGATTGATTGACGCACATCTTCAGAAATCCGTGATCCAACACCTTTCCAAAATGGT  
TTGTTTCATCTCATTTTATTGATTTTCAAGAGACTTCACTGTAAGTTGATAATTGAAAATTCTGAATCAATGTTGT  
ACATATAGACAGACATAGCATCTCATAAATCTTCTCGTTGCTTTTCGTACCGAAAAGCTAAAGCTGGATTTTCT  
TTTTTAACTATTTATTGGATAATTTCTTATATGATACTGTTCTCATTGTTAGTCAATGCTTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_863 NM\_001054943|Oryza sativa Japonica Group Os02g0799300 (Os02g0799300)  
mRNA, complete cds

AGAAAAATCGGCTCGGATTCTGCAAAGCTCTATCCCTCTCTCCCCCTCTCCCTCTGAATGTGAGAATGAGAGCC  
ATTATGTTCTCTCCGACCCATCTTCTCCATTTCCCTTCTTTTTTACCCTCTCTTCTTTTCTCTCATTCTTCACTC  
ACCGTCTCTGCTCTCAGCGACATTCCAATCTTCGAAAATCTGCTGGGGTTGAGGCTTTTCAGGGGTCTGGAGC  
CATGGAGGAGTGGAAGAAGCCTTGCCGAGCAGGACCCTGCTGTGAATTCGTCTCTGATTTTGGCTGAAGACA  
GGACTCGGAGGAAAGACCCCTTGATGACTTTAAACCATATACGGGTGGATGGAATATAAGCAACCAACATT  
ACTGGGCTTCGGTTGCTCTTACTTCTATTCTTTTACTGTCTATTGCTTGGTTTGTGCTCTTCGGGATATG  
CTTGTTTCATCACCTGTCTTTGCTGTTGCTGTTGCCGGAGGGAGCCTTATGGCTATTCTCGAACGGCCTACGCTC  
TTTCTCTGCTTTCTCATTCTTCCACCATCTCAGCAATTGTAGGATGTGTTGTGTTATATGTTGGTCAAGGGA  
AGTTTCATAGCCGTACATCGAGCACATTGGAATATATAGTAAATCAGGCAGATGCAACTGCTGAAAACCTCAA

GAATTTGTCGGTATATCTTTCTTCAGCAAAGTCAATCAGAGTCGATTGATATTTCTGACTCCAGATATCCAGA  
AAGGAATTGACGATATTGGTACAAAGATAAGTTCTGTTTCTTCCACTCTTACCGATGCAGCTTCTAACAACCTCA  
GACAAGATACAAAATGGCCTAGATGAAAACCGACGCGCCCTCATTATTGCTGCTGTTATGCTCTTGTTGGC  
ATTTATTGGATTCTTATGTTCCATCTTCGGATTGCAGTGTGTTGTATACACCTTGGTAATACTTGGTTGGATTCT  
CGTTACAATCACATTCTTTCTGTGTGCCGTGTTTCTTCTTCCATAATGTGGTCGGAGATACTTGTGTTGCAAT  
GGAAGATTGGCTGCAGAATCCCACTGCCAACACGGCGTTAGATGATATCCTTCCTTGCCTCGATAATGCCACT  
GCCAAAGAAATTGAGTCGGTAACCAAAAATGTGAGTTTCCAACCTTGATAGTTTGGTCAATGGAGTGATCAACA  
CAGCCACAAATGTCGACCCCCCTCCGAATATCGGTCCCCCTGTTAATTACAATCAATCTGGCCCATTGGAGCCG  
CTTCTCTGT

>trans\_c\_864 NM\_105338|Arabidopsis thaliana CLPP3; serine-type endopeptidase (CLPP3) mRNA,  
complete cds

TGGGTGCTTCCCCTTCTGCTCTCAATAGCGAAAATGGAGTTGAGTTTCACACACGCACCTTCTCCTTCGCCTTAT  
GGGCTTAAGCGTTTCGACCATGGACTTCATCACTCTTCTCATGTTCCAATTTCTACTCCTTCCAACCACTCCCAT  
GGCCGCAATTTCACTTCTAATAATTTTAGAATCAGAAATTGTTTCGGTTCGGTGCTAAACCACCCCTCGCTTAGT  
TCCTCTTCTCTTAGACGCACCTTATCCAGTAATTGGGATGTTCTTAGCAACTATTCTGCATCTTCCGCTCCATCCT  
TGCCTCGATTGGAAGAGCTTGACACTACCAATATGCTTCTCCGCCAGCGAATCATCTTCTTGGGTTCTCAGGTT  
GATGATGTGACGGCAGATTTTCATCATAAGCCAACCTACTCTTTCTTGATGCTGAAGACCCAACCAAAGATATTAA  
ATTGTTTATCAACTCACCTGGTGGCTCTGTCACTGCTGGAATGGGAATATATGATGCAATGAAGTTATGCAAG  
GCTGATGTTTCAACCATTTGTCTGGGACTCGCTGCATCCATGGGAGCATTCTTCTAGCCTCTGGTTCAAAGGG  
AAAGCGATTCTGCATGCCAATGGAAGAGTGATGATCCATCAACCACTTGGAACAGCTGGAGGAAAAGCAAC  
AGAGATGAGCATACGGATACGAGAAATGGCGTATCACAAGATTAAGCTAAACAAGATTTTTCTAGAATCACT  
GGAAAGCCATTAGAGCAGATTGAATTGGATACAGATCGTGATAATTTTATGAATCCTTGGGAAGCTAAGGAG  
TATGTTTTGATCGATGAAGTTATCGATGACGGGAAGCCTGGACTTATTGCTCCAATTGCAGAGGCAACTCCTC  
CACCGAAAACCTCGAGTCTGGGATCTATGGAAGGTTGAAGGGAGTCGAAAAGCCAAGAAGAATTTGCCTTCAG  
AAAGCAAGATTTTGAAGAATGGATATCAAGGGGGTGAAGGAAGTGACGAAGAGCGTGGTAGCCAGCAGGA  
AACAGAAGAACCAAGTCTGTATGACGCAGGACTCACCTGTTCTTCTTCTCCTCCTCCTCTGCCTCTATTG  
TTGTATCTAGCTTGTTCTTTCCATTCTAAAATAGTTGTTTCTCTGTAAGATCTTAAGGCGATTATTACCAATTTG  
TTAAACACGCCTAGGTTATGGAAAATTCAAGGGTCATAACATTCCCTTTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_865 EU583456|Betula pendula histidine kinase 2 (HK2) mRNA, partial cds

AATCATTAATAAAACCATCTACTCTTAGGAATCTGCTGAAAGAAAAGCGTATTTTGGTTGTGGATGACAATGCA  
GTAAACATAAGGGTGGCAGAAGGTGCACTCAAAAAATATGGAGCCGTTGTAACCTGTGTAAAATGTGGAAAG  
GATGCTGTGGCTCTCCTCAATCCTCCACATAACTTTGATGCTTGCTTCATGGACCTCCAGATGCCTGAGATGGA  
TGGGTATGAAGCTACAAGACAGGTCCGTGCTGTAGAATGTGGGGTGAATGCGAAAATTACATCTGGAGAAGT  
GTCAATTGAGAACAAATAAGATCCATTGGCACACACCAATATTTGCTATGACGGCAGATTTAATTCAGGATATG  
AGTGAGGAGTGCTTGAAGTGTGGAATGGATGGTTATGTAGCTAAGCCATTTGAAGAGGAGCAACTTTATTCA  
GCTGTAGCACGTTTTTTTTGAGACTGCTTGACACGGTACTGCACGCAGCAGCAATAACTGTTTCTTACCTCTCTG  
ACCCAAAGGTCACTCTCATGCTACGATGGGTGACTCCAGATCATGGCTGCCCATCTTCTGACTACTCTTTCCAG  
CTATCAGGTGGTGGATGGAGTTAATCTGGTCGCGTCTTCTCATCCTTTAATTTGTGGAATGACAACCATGAGT  
AGGTAGTCTTAGCAGCAGGTGTAAGCCAAAAGGGAAGTCGCGCAAACGGTGTATAATCTCATGGCTCCAACG  
GCCATTAATAATAAAAAATGGCTTCCTAGATGGCCCTGACTTCCTTGTCAGTAACTCAAATGTTATGATTTGCCA  
ACATCACTCATTTATGAACCCTGATGATTCTTATCTCCTCCGACATGGCTTATCGAAATCCTCCTTTGTCGTGTAT

AGGGGATAATAGAATCATCACCATTTTCCAAGCTGACTCCAAATGATTTGACATTTTCCCTAGCTGTATGCAC  
TCTGACAGATTTAACAGAACGCCAATGATATCTTCTAATAATCAGAAACACCAGAAAAATTCATATTTAAAGAG  
ATGTCTGCTGCTGTTTCCAAGCATTGATATTTGAAGAGTATTGTATATTCCTATGTATACAAGAATTTGTCTTAA  
ATTATGTAGTTGTCCCTTAAGGAATATTCTGAAGTATATTTGTAAATCATTTCTGTAAGGCTGCAGTTTAGTGA  
AGGAGTAGTTGATATTTGTACATCCTCTATACAAATCTTTATCACTGTTATTGCATCTTCGATTATCTTTACTGG  
TTGTACTTTTAGTAG

>trans\_c\_866 XM\_002879901|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

GAGAGCACAGAAATGAGAGGGATCAACGGAGTCATGAAGAAGGCTCTTGGAGACATGGAGTTCACCGCCGG  
CGGTGGAGCCATCAATTGGTTCCCCGCCACATGGCTGCAGCCATACGTGCCATTGCCATAGACTGAAGCTC  
GCGGACATGGTCATCGAGGTTAGGGATTCCCGAATCCCTTGTCTCGGCCAATCAAGACCTCCAGCCTCATCT  
CTCTTCCAAACGCCGCGTCATTGCCCTCAACAAGAAAGATTTGGCTAACTCTAATATCATGAATAAATGGGTTG  
ACTTTTTGACTCATGCAATCAAGATTGCATACCAATTAACGCTCACAGTAAGAGTTCTGTTCCGAAGCTTCTC  
GAGCTTGTGGAATTTAACTAAAGGAAGCAATTTCAAGGGAACCTACTCTTCTTGTATGGTCGTTGGTGTTC  
GAATGTTGGGAAGTCAGCTTTAATTAATTCAATCCATCAAATTGCTTCTGAACGCTTTCAGTGCAGGAGAAAA  
GGAAGCGAGCTACTGTTGGTCCCTTGCCTGGGGTACTCAAGATATAGCTGGCTACAAGATTGCTCATCAACC  
TAGCATATACGTTCTAGACACTCCTGGTGTATTAGTTCCAAGTATCCAAGATACCGAGACAGGGGCTGAAACTA  
GCACTTGCAGGATCTGTCAAGGATGAAGTGGTGGGTGAGGAGCGGATTGCTCAATATCTTCTGGCTGTTCTG  
AATTCTCGAAGGACTCCTTTCATTGGAGGAGACATTTGAATAACAGAAAAATGGAAGGTATTCAATATGAAC  
CAGAGGAAAGACACAGATTTAATCTTAATGACCTCCAGCCAAAGAGGAGGGCTCTTCCAAATAAGTCTGATGC  
GGTATATGTTGAGGATCTTGTAACTGAAGTTCAATGCGCTCTGTACACAACTCTATCGGAATTCGATGGTAAC  
GTTGAAGACGAGAATGGTTTAGAAAGTCTTATAGAAGTGCAGTTTGAAGCATTGCAGAAAGCGATGAAGGTG  
TCACATATGGCAGCAGAAGCTCGTTTGAGAGTATCGAAGAACTACTTACTCTATTACAGGGCAGGTAAGCTTG  
GTCAATTCATCCTTGATGATGTCCCTATCACAAAAATTTCTTAGGAAATTAATATTCTTTGTGTTTTGTTGTTTA  
ATGGTGATTTAATTAGTAGAGCTATTAGTTTGTATTTGCATCGTCAACTCATTGTAATATATTGGTTTAGTTAT  
CTCGTTTTGATTCAAAAAAA

>trans\_c\_867 NM\_101170|Arabidopsis thaliana glycosyl transferase family 17 protein  
(AT1G12990) mRNA, complete cds

AAGGGAAACGGCTAAATACTTTCCGTTTCTTCGCTTCGACTGAATCTGCTGAATTTCCGCTTCTTCTTTTTCTG  
ATTCTGGTTTAACTCTGCCCTCGCCGCCGCTGCTGTTTCTCCCATTCTGCTAATCCTTGACTTCACTGTTTGTT  
TAATCCTTGTCGACCCAATTTCTGACCCCCGAAAGGAGAAGACCCAGTTTGTTGTTTTTCTTTTTTTTTTTTTT  
TGTGTTTCTTTCACATCTACAAATGTGGTGATGATGGGTGAAGGTGGAGGCCATTACTGTTCCAAGAAATCT  
GATGATATTTGTGGCGATGTTTGTGATCAGGAATCCAATCGGGTATTGGGGATGTCTAGACTTCGCTGCATTT  
TTCGTGGATATGATGTGAAAACCTTCCTTATTCTTTTTGCACTGGTGCCAACATGCATCTTGATCATTTACTTGC  
ATGGACAGAAGATTTCACTTCTTACGGCCACTATGGGAATCCCCACCTAAAGAATTCAATATGATTACTCAC  
TACTATGATGGGAATGTATCTATGGAGAACCTATGCAAACTCCATGGTTGGAAAGTCCGTGAATTTCCACGAC  
GTGTTTATGATGCTGTGCTGTTCAAGTAATGAGATTGAGATGCTCACCTTGCGATGGAAAGAACTCTACCCTTAC  
ATTACACAGTTTGTTCTTCTCGAGGCAAATTAACATTTACTGGGAAGCCAAAGCCATTATACTTCGCTCGCAA  
TAGAGACCAATTCAAGTTTGTGGAGTCAAGATTTACTTATGGCACTGTTGGAGGGAGATTTAAGAAAGGGGA  
AAACCCGTTTGTGGAAGAGGCATTTACGCGGGTTCAGCTTGATCAGCTTCTCAGAATTGCTGGTATCACTGAT  
GATGACTTGTTGATAATGTCTGATGTGACGAAATCCAAGCAGGCACACAATTAATCTCTTGAGATGGTGTG  
ATGACATACCAGAAGTTCTTCATTTACAACCTTAAGAACTATTTGTACTCTTTGAGTTCCATGTTGATGACAATA  
GTTGGAGGGCTTCAGTCCATAGATACAAATCTGGTAAGACAAGGTATGTTCAATTATCGCCAATCGGATGACCT

GTTGGCAGATTCAGGGTGGCACTGTAGCTTCTGTTTCCGTCGTATCAGCGACTTCGTCTTTAAGATGAAAGCAT  
ACAGCCATAATGACAGAGTTAGGTTCTCTAGTTATTTAAATCCCAAAGAATTCAGAAGATTATCTGCAAGGG  
TCCCCGACCTA

>trans\_c\_868 AY207316|Gossypium hirsutum MAP kinase-like protein mRNA, complete cds

AAGAGAAAAACCAACTAAACGGAACACAAAGAGAGATAGAAGTTTTTTTTTCGCTCCGTTTCTTCGGAGATTT  
TCCCTTCGGCATCAACCCCAAAGCTGGGGTTAGCTGTATCGAGAATCAAGGTTATGCATGTGAGGACTAGGA  
GTATACTTGGTGCAATTTCTTTTGGGATTCAACCGCCAGCTCTAAATTTATATGATGCCAGCTGAAAACCTCAATTC  
CATATGATCGAGATGCAGAGCCCTTTGTTGAGGTCGATCCAACCTGGAAGGTTTGACGATATGATGATCTTCT  
TGGGTCTGGAGCCGTAAAGAAAGTTTATAGGGCATTGATCAGGAGGAAGGAATAGAGGTTGCTTGAATCA  
AGTTGATTGAGAAATTTTAGTGGGGACCCAGTGTTTCATCAACCGTTTGAGATCTGAGGTTGAGCTGCTGAGC  
ACTTTGAACAACAAATATATCATTGTTTGTTACAGTGTTTGGAATGATGATGAGCATAATACGTTGAATTTAT  
CACCGAGGTGTGCACATCAGGAAATCTAAGGGATTATCGTAAGAAACATCGACATGTGTCAATTAAGGCCTTG  
AAAAAATGGTCAAAGCAAGTACTCGAGGGATTGGATTATCTTCATACTCATGAGCCTTGCAATATTCACAGAG  
ACCTCAATTGCAGTAACATTTTTGTCAATGCGAATATTGGCCAGGTTAAAATAGGTGATCTAGGGTTTGCAGCT  
ATAGTTGGCAGGAGCCATGCTGCACATTCAATCATAGGCACACCCGAGTATATGGCACCAGAGCTGTATGAG  
GAAGACTACACAGAGATGGTGGATATATACTCCTTTGCAATGTGTTTGCTCGAGATGGTTACTATGGAGATAC  
CATAAGTGAATGCGATAGTGTTGCCAAGATATACAAGAAGGTAACAACCTGGAATTAAGCCCCAAGCAATAA  
CAAAAGTAACTGATGATGAAGTCAGAGCTTTCATTGAGAAGTGCATTGCGCAGCCAAGAGCAAGACCTTCGG  
CCTCTGAACCTTCTCAAGGATCCCTTCTTCGATGAAGTCAGAGACGAAGATTCTGAACAGACTTCATAAAGACA  
GGGTACTACTACCAAGTACTGACTGACGAACACAAAAAACTAAAAGTATATGGTACTCTTTTACCTACTGCAT  
TTCAGTGTGTAATTGATTTCTAGTTGATTGACTTGGCGTCAATGAAATGAAATCTTCTATTTCCTACTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_869 NM\_001124989|Arabidopsis thaliana peroxidase 21 (PER21) (P21) (PRXR5)  
(AT2G37130) mRNA, complete cds

AACTAAAACCAGCCAAGCTTCAAAAGCTCAACAATGGCGGCCAATAACCATTTGAGCTTTCTTCTTCTTCTTCTT  
CTTCTCGCTCTTTTTCAGCTCTTTAATCCAGGAAGGGGGCAATTGGAAATGAATTATTATGCAAAAAGTTGTCC  
AAAAGCTGAAGAAATTATAAAGCAGCAAGTCGTTGATCTTTACTATGAACATGGAAACACTGCTGTTTCGTGG  
CTCAGAAATCTCTTCATGATTGCATTGTTAAGTCTTGATGCATCACTGCTATTGGAGACGGTGGTGGGAGT  
GGAATCAGAGAAAGATTCAAGCAGAAGTTTTGGAATGAGAAATTTCAAATATGTAAATAAGATCAAAGCTGC  
TGTTGAAAAAGAATGTCTCCCACTGTTTCTGTGCTGACATCGTTGCTCTCTCCGCTAGAGATGGCATAGTTA  
TGTTAAAGGGGCCTCATATAGATTTGAAAACCGGGAGAAAAGACAGCAAAATGAGTTATTCAAATATGGTTG  
AAGAGTTGGTTCCACAGCACAATGAATCTCTGTAAATGTTCTCTCTCGCTTAACTCCATTGGTATTGATACCG  
AAGCAACCGTCGCTCTTTTAGGAGCTCATTGAGTCGGTCGAGTTCACTGCGTAAACTTAGTAGAAAGACTATAT  
CCAACGGCCGATCCTACCATTGATCCAGAATATGCCAAATACCTAAAGATGCGATGTCCAACACCAACTCCTGA  
TCCAACGCAGTGCTGTATTCAAGAAATGACCGTAAACTCCTATGGTTCTCGATAACATGTACTATAGTAACA  
TACTAAAACACAAAGGATTGCTCATAGTGGACCAAGAATTGGCTTCTAATCCTTTAACGTTACCTTATGTCAAG  
AAATTTGCTGCCGATAATGTCTATTTTCATGCACAATTCTCAAGGGGCATTGTTTGTATCAGAAAATAATCCT  
CTCACCGGAGATCAAGGAGAGATTAGGAAAGATTGTCGCTTTGTTAATAAGTAAACTCAATTAATTGAGTTT  
GCTTATGGGATTATATTGTAAAGAATAAACAATAAATGATGCTTTGGGGTTGCTTTTACAAGTCTTTCAATTG  
TGTAATTGTGATGTAACTTTTCATCTTCTATGCATATTGGGTTTTTACCATTCCAAAAAAGGAATGAGTTAAAA  
GTAGTTTTGTTTTTGTTCATCCCGAGTTTAGTATTTGACGAATCGTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_870 HM122706|Malus x domestica TLP domain class transcription factor (TLP5) mRNA, complete cds

TGTATCATGGACGCTATTCCCGCTTCAGCAGTTGAACTTGGAGGAGTGGCTCCCACGCCAACTGAGCTTTCTTT  
GAGCAACGTGGAATTGTTCCCTTCTTTCCCTTCTTAAGGTCAAAATCAAATGCTGATAGCTTGCTTTCTGAGC  
CTTTAGGGAGTCAGAAAGATGGAATGTTGGTGCTGAGAAACAAAACACCCAGATGGCAGCAGCAGCTTCAGT  
GCTGGTGTCTGAACTTTCATGGAAGAGTGACAATTGCTTCTGTAAAAAATTTTCAACTAGTTGCTTCTCCCGAA  
AATGATCCTCCTACAGCAGAAAACGAGAAGATCATCCTTCAGTTTGGAAAAGTGGGGAAGGATTTATTCACAA  
TGGATTATCGTTACCCAATCTCCGCTTTCCAGGCTTTCGCAATCTGCCTCAGCAGTTTCGACACCAAGATTGCTT  
GTGAATGACAGAACACATCATTTAACAGGGAAAGTTCTACCATTGGCTTCTAGCAATAAAAGTCGTTTATAAA  
TGGTAAGTTAACGCAACGTGATAGCGGAACGAGGGCTATGTTCCAGAACTCGTAGGAAGTTGCTTCTTTCGTG  
GTGGTTTCTTTCGAGCGGTTACTTTTTTGGGGTTTGTTTTGAGGGAAATGAATCGCAGAGGAAGTTGCGAAA  
ATTAAGGACTTTTTATTTGATTGTAATATGTATATTTCTTCAAGTTTGGGTAAATAATGTTTTTTTTTTTTCTTTT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGG  
GGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTTTAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCGGCCCCCCTTCCCCCA  
AAGGGGGGGTTTTTACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCCCTGGGGGGGGGAAAACCGGGGGTTTTT  
CCCATTTTTACCCCTTGGGAACACCCCCCTTCCCCCGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCTCCCC  
CCCTCCCAATTTTCCCCCCTAAAGGGGAAGGGACCCCCCCTGTTTCGCCCCCTTAAACCGGGGGGGGGG  
GGGGGTTTCCCCAAGGGGGCCCTTATTTTTTCGGCCCCCTAGCCCCCCTTTTTTTTTTTTCTCCTTTTTTT  
TCCCCGTTTTGGGGGTTTT

>trans\_c\_871 AF195029|Glycine max plasma membrane Ca<sup>2+</sup>-ATPase (SCA2) mRNA, complete cds

AACACACTCTTGTAAGCACTTACGAACCACTTTTCAAGAGGTTGTTGCAGTTACTGGTGATGGAACGAATGA  
TGCTCCGGCACTTCATGAAGCAGATATTGGATTAGCTATGGGCATTGCTGGGACTGAGGTAGCAAAGAGAG  
TGCTGATGTAATAATTCTCGACGACAATTCTCTACAATTGCAACTGTTGCCGAATGGGGGCGTTCAGTCTACA  
TAAATATCCAAAAGTTTGTCAGTTTCAGCTAACAGTGAATGTGGTTGCACTTCTCGTCAATTTTTCTTCGGCCT  
GTTTGACAGGAAATGCTCCCTTACTGCTGTGCAACTGCTTTGGGTCAACATGATAATGGACACACTCGGAGC  
TCTTGCAATTGGCAACCGAGCCTCCTACTGATGACTTGATGAAGAGATTACCAGTTGGTCGGAAAGGGAATTT  
ATTAGCAATGTGATGTGGAGAAATATCTTAGGGCAGTCAGTATATCAGTTTGTAAAGTTTGGTATCTCCAGA  
CACGAGGACAGGCTCTTTTTCATCTTGATGGCCCGGACTCTGGATTGATACTGAATACACTGATTTTCAATGCA  
TTCGTCTTTTGTGAGGTTTTTAATGAGATAAGCTCAAGAGACATGGAAAAGATAAACGTGTTTGAAGGAATAT  
TGAAGAACCACGTCTTTGTCGCCGTGCTTGCTTGACCGTCCTTTTCCAGATCATAATCATCCAGTTCCTGGGA  
ACATTTGCAAACACATATCCTCTAACTACCAGCAATGGTTTGTCACTGTGTTATTTGGATTCCTTGGCATGCCA  
ATTGAGCAGCTTTGAAGATGATTCCGTTGGATCAGAGTGAAAACAGCATCTTCCTAACTTGGAAAAGTTTCG  
ATTAGACAACCTATTCTCTTCCAATTTTTTGGGGTATTACCTCACAAATTTGAACTTCACTTCAATCAGTTAAC  
AAAAAGCTTGAGGTAAGCATAACCTTGGAACAGAAAGTTGAAGACCTTTTCTGTATATTTTTAGTCCCTCTCT  
AGAGTTGCCTACCAACAATTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTCTTTTCAAAGGAAGCTTTATAGGACAT  
CAGTTTTTGGATCATCAAAGGTCCTTTTACTAAATATGCTTGTATTTATAACTCATTTCTTTTGATTTATTACTT  
GTTATTTTGTACAACATTGTGGCTCTGATTTCCGATCAACAATTTTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_872 NM\_106680|Arabidopsis thaliana sulfate transmembrane transporter (AT1G80310) mRNA, complete cds



CGATTGAAAGCGAAGTTAATGAAGACGCCAAACCTGAAACAAGTTCAGATATGGAGGTTGTGGAAGCGAGAT  
CCCTGGGAGATATTCATGATGCAGTGTTGCAAGCGTTGAAAGGAATATTGATGAACTAGGATCTAGTTCTGA  
CAGCTCAGAAACCAAATCGGATATACCAATGCTTGAAGCAAAATCACTTGATGATATCAGCTTTGCTTTTAGGC  
AACTCCACGAAGGAGTTGGCGTGGAGGACGTCATTCTTCCAGTATGGTTAATAACCAAGTTACTGGAAAAGC  
CAAGCCTGAAACAAGTTCGGATTGGAATTCGTTGAAGCAAGATCTTGGGAGATATACATGTTGCTTTGATG  
CAACTCTCCGAGAAAAACATAGGTGAATCAGGTTCTAGTTCCAATCCCACTGAAACTAAATCAGATATACCAAT  
TCTTGAAGCAAGATCACTTGATGATATCAACTTAGCTTTTAGGCAACTCCATGAAGGAGTAGATGTGGGAGGA  
TGTCATCCTTCCAGTGCGATCAAAAGCCAGGTTGAAGAAGAAGCCAAACTGAAACAAATTCAGATATGGA  
AGTCGTTGAAGCAAGATCACTGGGAGATATTCATGTTGCCTTGATGCAATCCCCAGAGAAAAACTTGAATGAA  
CATCCAGAAAAGTTCTATGTCAAATGTTCCATCAGAGGGATTAGAACCAGCTGGAGTGGATTCTATCATTGAGA  
TTGCCTCATCTAATGCGACCAATGCCGATAAACCAGCTGCAGATACAGTTGATGAATCTGTAGATCCAAATGTT  
TCTGCTTCCAAAACCGATGCCGATAAATTAGCAGCTGATACAGTTGATGAAAAATCTGTAGATCCAAACGTTTC  
TGCTTCCAAAACCAAGACAAGAAGGAAAAAGTCTGGAAAATCTTCTGGATCCAGCTCCAGCTCAAGCTCTAGT  
GATTCTGATTGAGATTGGAAGTCTAAGAGGTAAAAGTAGTAGAATCATGTGGAGTTTCCTTTTGGGGTTTCC  
TCTTCAGTCTTCATTCAAGATTTTCTTTTCCAAAATTTTCTTTTGGGTTTGGTTTCCAGTTTGGTCACCTTA  
TTCTTTGTTTACAGTGCAATCTTTTAAAAATGAGTTGTGGCTTGATTTCTTGTAAATTGTGCAAGTTTCCAGGAT  
CCCCATCCACCCCTTAAGAGTTTGAAGTTTGAGGGAGAAAAGTGGTTTTTTTTCTACTGTTTTTTTTGTTTA  
AACCTGTATGTAATA

>trans\_c\_873 NM\_120030|Arabidopsis thaliana 1-phosphatidylinositol phosphodiesterase-related  
(AT4G38690) mRNA, complete cds

AAAATCTCATTTCAAAAGAACAACATCCATCGGAAAGTTCGGAAAAACAACATGGGTTCTCAAGTATCCA  
AACAAGTGGAACGCCGGAAGTCCATTAACACGGAGAAGAAGGTTCTAGCCGACCTCCGAATAAACGCCGGCG  
AAGATTTCCCGGTTCCGATTACCGGCCACCCGACAGAAAGAACTGGATGTCAAATCTCGGCATCGAAAGAAC  
CCGCGTGAACCAAATCGTATGGCCAGGGACTCACGACTCCGCCACCAACGTCATCGGAATACCTTTTCATCACC  
CGTCCTTTCGCCCAGTGTCAATCACTCTCATTACGAACAGCTCGTGTTAGGCACGCGCTCCTCGACATTCCG  
AATCCAAGAAAATCGTTTAGTCTGCCATGGGATCCTCTCAACCTACAGCGTCGACGTCGTTTTTCGCCGATATAA  
AGAAATTCCTGGCCGAAACCAATCCGAAATCGTAATCCTCGAGATCCGAACAGAGTTTGCCATGAAGATCC  
GCCGATTTCGACAAGTACATTGTTGAACAAATCGGGGAGTTTTTGATTCACAACGATGATCGGGTGTTTGAG  
AAGACGATTGCGGAATTGTTGCCGAAGAGAGTGATTTGATTTGGAAACCCAGGAAATCGCCGGCGCCAAAG  
GCAGGAGATCCGTTGTGGGGAGGTGGGTATTTGAAGGATAATTGGATTGATACGGATCTGCCGTCAACGAAG  
TTTGAGAGTAACCTGAAATTCCTGTCGGAGCAACCACCGGTGACGAAGAGGAAATACTTTTACAGAGTGGAG  
AATACGGTGACGCCGAAAGCGGATAATCCTATATTGTGTGTGAAACCGGTGACGAGAAGGATTCTATAATTT  
GCTCGGTTGTTTATTAATCAAAGCTTTGCGAAAGGAGTGCCGATAAATTGCAAGTTTTGTCGACGGACTTCA  
TTGATGGGGATTTTGTGATGCTTGTGTTGGACTCACAAGTGCAAGAATTGAAGGGAAGGCCTAAATTTTTTC  
TTTTTTTTTCTTTTTCTAAATTTTAAAATTGAAATTTAAATTTGTGTTTTATGTTTTGTTTATGATCAATGTGT  
GTAAGTGTTTGTTTGTTTGTTGATTATCTGGGTATGTTTAACTTTAATTGTGAGAAAAATAAGGGTATAGTTATT  
TGTAATTAATTAGGGTAATTATGTTATGCCTATAATTAAGGAGCTTTTGATTTTGTGTTTCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_874 XM\_002300936|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC030),  
mRNA

TTTTGAACCCTCCCAATTCTCCCCCTCCATCAAATAACGACAACCTCCACCCAAATCAATTTTTCTGAGAACC  
GAAAAGAAGATATGACAACCACTTGACTCACCTTCCCCCGGTTCCGCTTTCATCCAACCGACGAGGAGCTT

GTTATGCACTATCTCTGCCGTAGATGCGCATCCCAGCCGATTGCCGTTCCCATCATTGCTGAGATCGATCTCTA  
TAAATTCGATCCATGGGACCTTCCTGAATTGGCCTTACACGGAGAGAAAAGAGTGGTATTTCTTCTCTCCAAGG  
GAGCGGAAATATCCAAACGGTTCACGACCCAACCGGGCAGCCGGTTCGGGTATTGGAAGGCAACCGGAGC  
GGACAAGCCTATTGGGCATCCCAAACCCGTTGGCATCAAGAAGGCCTTGGTTTTCTACGCCGGAAAAAGCTCCA  
AGAGGAGAGAAAAACCAATTGGATTATGCATGAGTACCGGCTCGCCGATGTGGACCGCTCGGCTCGCAACAAG  
AACAATCTTAAGCTTGACGATTGGGTTCTGTGCCGGATTTACAACAAGAAAGGTGTAATCGAGAAGCGATGTC  
AGATGGCAATCAGTCGAAACACGAAGGGTTTGAAGACGTAGAAGAGGAGAAGCCGAAGATTTTCAACAGT  
GGAGGCGGCGCGCCGATGTGTTAATGGCGTCAGTCACGGCGTCGGTAGGTGATTACGTACATTTCGAAACA  
TCGGATTCAATACCGCGATTACATACAGATTCAAGCGGTTTCGGAGCAGGTGGTGTGCCGGAGTTGACGACG  
GGGGAAGTTGAAAGCGAGAGAAAAATGGAAGGAAATGGAAAACGCGTTTAATCCGGATATAATTACATAGA  
TGAGTCATCGCTAGAGCATGAATTCGCGACGCAATTTATAGCGGTAATCAGATGTCGCCGCTGCAGGATATG  
TTCATGTACCTGCAGAAGCCCTTCTGAAATTTGAACTAACCGCCCTCAGATTCAGATCCAATGATTTTCATTTCG  
TTTTCTTCATCGTCGATCCATCACACAAGTCCTTCCAACCTTCAAATTTCTAACAGCCGTTGATGGTGTCTCATCA  
CTCAATCCCACGGTCGCACGAGACTGGAGTCTGTGAGTGCGCCGCCACGTGTATAGAGTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGAAGAAGTAATAGTCATACTTAGGGGATGCAGAGACAAAGACGAGGAGAGAGAGTATAGTTA  
GTTAGTTTATTGTAGGAGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_875 XM\_002893592|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata coatomer protein epsilon subunit  
family protein, mRNA

AAATTTTGGTTAAACGTTCAATTGCTTCGTCGGTCTCCTCTCTTTTATCTCTCGCGTCTGCTGGATTCAAGATCTA  
GAAGAAGGAAGTTGGACGAAGAAGAGTAAAACCATGGCAGCACCAGATCATTTGTTCAATCTCAGAAATAAC  
TTCTATTTGGGTGCGTATCAGGCAGCCATTAACAACAGTGATCTCCCAATCTCTCCCCGATGACGCAATCGA  
GAGGGATTCCATTGTTTTCCGCTCTTACATTGCCCTTGGCAGTTATCAGCTAGCGATCAGCGAGATCGATTCAT  
CCGCCCCGACGCCTCTTCAAGCCGTCAAATTGCTCGCTCTGTATCTGTCTGATCCCAGCAACAAGGAATCTACC  
ATCGCGAGTCTACAGGAATGGCTATCAGATCCAGCCATTGGAAACAATCCTACTTTGAGGCTAATTGCCGGAA  
TCATATTCATGCATGAGCAAGATTATAATGAAGCCTTGAAACACACAAATGCTGGAGGAACCATGGAATTGCA  
TGCGCTGAATGTTCAAATATTTCTTAAGATGCACAGGTCAGATTATGCAGAGAGACAGCTGCGAGTCATGCAA  
CAGATTGATGAGGATCACACATTAACACAACCTTGCAAATGCTTGGTTAAATCTAGCAGTGGGTGGTTCCAAGA  
TACAAGAAGCATATCTCATCTTCCAAGATTTCTCCGAAAAGTATCCCATGACAAGCTTGATTTTGAATGGAAGG  
GCAGTCTGCTGCATGCATATGGGAACTTTGATGAAGCCGAGACACTTCTTCTGAAGCACTGAACAAGGATG  
CAAAAGATCCCGAACTCTGGCCAATTTAGTTGTATGCAATCTTACCTTGGCAAACCAACTTCTCGTTTTCTCA  
GCCAATTGAACTTTTCGCATCCCGACCACATGCTTGTCAAACGCATCTCGACTGCTGAAGAAAACCTTGATAGA  
GCTGTTCAATCTGTTGCTTAGAGAACCCCTTGCTGCCTTGCAAAGATGATGAATGATGTTTACTAGTGTTAAAC  
GACAGTTGGTCTTCAACCTGTGGCCGTTCACTGCCAAGGGGCTGTTGATTTTGCTCAAGTTATTTGGCTATTGA  
ATATCAAATCCGACCAAATGTTTGACATTAGAAATTATAACGCATAATCCTGGTCATTTTTTGTACTGAGCTTCC  
TGGATGGTGATCCATACTTATTCTTTACCATTCTCATTTGTTTAAGCCCTTGGTAAAGACGATGGCCTTTTCAT  
TTTCACTGGT

>trans\_c\_876 DQ234265|Glycine max salt-tolerance protein mRNA, complete cds

ATTTCCCTGAATCCTCAACCCTTATCCCCTCACCCACCCTTCTCTTTCTTCTTCAATCCTCCACCTTTTACTTCTCT  
TTCTCTATCCCCTTCTTTCTCCATTCTTATTCTCTAATACCACTTTTCTCTTCTTCTTCCCTTCCATCTCTCCGGC  
GCCACTGTTCTACTGGCGGTTTAATTTATGGGTTCTTTTATGATCTCGGAGTAGGAAACAGGGAAAGTGGAGTT  
TCGGCGAATCTATTCAAAATCTTAGTGTTGTTTCAGAGGGGAGAAGATGAAAAATCATGTGATGTTTGTGAGAA  
AGCTCCTGCTACTGTGATTTGTTGTGCGGATGAAGCTGCGCTTTGTGCGAAATGTGATGTTGAAGTTCATGCT

GCCAATAAGCTTGCGAGTAAACACCAGAGGCTTCTTCTTCAGTGTCTTTCCACCAAGCTACCTAAATGCGATAT  
ATGCCAAGACAAGGCAACTTTTCATTTTCTGTGTTGAAGACAGAGCACTCTTTTGTCAAGATTGTGATGAACCAA  
TTCACCTCAAGTGGTAGTCTTTTCAGCAAACCACCAGAGGTTCTAGCCACTGGAATCAGAGTGGCCATGAGCTC  
AAGCTGCACGAAGGACGTTGTCAAGGTCAAGATGGAACCTCCAAATCCAAAGAACCCTCAGGTTCTCTGCTAAA  
GTGCCTTCACAACAAGTTCCTAACTTCACGTCCTCATGGGCTGTTGATGACTTTCTCCACTTCTCTGATCTTGAG  
TCCTCCGATAAGCAGAAAGAACAACCTAGAGTTTGGGGAATTAGAATGGCTAGCAGAAATGGGCCTCTTTGGC  
GAGCAAGTTCCTCAAGAAGCTTTAGCAGCTGCTGAAGTTCCTGAGCTTCCTACATCACACTCAGGTAATGCAAT  
TGCCTGCAGACCAACGAAGTCAAGCACATCATACAAAAAGCCTAGGATTGAGATGGTCGACGACGAAGAGTT  
TTTTACGGTTCCTGATCTTGGATGAACAGAAGAGAGAGGCGTTGATGTTGAGTTGGTATGCTTAATGAATAAT  
AATACAGTTTTATAACCTTACAAAATGTGTATGTATGTAGTGTTTTCAACATCTATGGTTTGATAGTATGCAGTA  
TATTAGTCTTCTTTTATCTTATGCCTAGAATATATTCGTTCACTCCTCTGTTACTTTTGCTTTTGTATCTTATTA  
ACCTTATTGTAACCTTTGAATCTTATATGAAAGATTATTTAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_877 NM\_117312|Arabidopsis thaliana SKU5; copper ion binding / oxidoreductase (SKU5)  
mRNA, complete cds

TTACATTGTAGCTAGTGCTCGGTTTGTCAATGAATCACTTTGGAAAAGAGTTACAGGTGTTGCTATCTTGCATT  
ACTCTAATTCCAAAGGAAAGGCAATTGGCCCTCTTCCAGAAGCACCAAATGATGAGTTTGACAAAACCTTTCTCA  
ATGAACCAGGCAAGATCAATCAGATGGAATGTATCCGCTAGTGGTGCTCGTCCCAATCCTCAAGGATCATTCA  
GATATGGCTCAATCAATGTAACCTGATGTTTATGTCTTGAAAAATAAGCCTCCTGTGTCAATCAATGGTAAAAATG  
CGAACGACGCTCAGTGAATCTCATTTGTTAATCCATCTACACCAATCAGATTGGCTGACCAATTCAAATTA  
GGGTGTTTATAAGCTCGACTTCCCCACTAGGCCACTTACAGGACCACCAAAGGCAGAGACATCAGTGATTAAT  
GGAACATATAGAGGGTTTATGGAGGTTATACTGCAGAATAACGACACCAAGATGCAGAGCTATCACATGAAT  
GGATACGCCTTCTTTGTCGTGGGGATGGACTATGGCGAGTGGACTGAGAATAGCAGAGGTACATACAATA  
TGGGATGGAATTGCTCGCTCAACAATTCAGGTTTATCCTGGAGCATGGACTGCCATCTTGGTATCTCTTGATAA  
CGTGGGAGTATGGAACATCAGGACAGAGAATCTCGACTCGTGGTATCTTGGGCAAGAGACGTATGTTCCGGT  
TGTCATCCTGAGGCTACTAACAAAACAGAACTGCCTATGCCAGACAATGCTCTCTTTTGTGGCCAGCTTAGTA  
AATTACAAAAGCCTCAAGATATCTCTTCTGCAACTTCAATCACGGGCGATAGATTGAAGATGTTATTCACTCTG  
CTGATGATGATCTCCACTTTAATCTCTGCTTTGCGCTAAGTAGCACCGTTGCTCTATGGCTGCTCGTGTACGTA  
AGTTGTCAAAAATGTCGGGCGTCTCCGTAAGGTTTGTGGTTGAGTGTGTAGGTCTGTATAAGTCTTGTGG  
ATACCAATTTTTTCATGATTTTTGCATAGCATTTTTTTTTCCACATGCTGCAAGCTGTAGAAGATGTATCTTTG  
GTTTTCATAGTTCATTAGATTGGATTAATCATTCTTTAATTCTCGAGTCATGATACCAACTGTCCCATTAAC  
GATTCATCGATGTTCAATTCACTGCTTTCTCACGTGTCGTTTATCATCGTATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_878 NM\_001054260|Oryza sativa Japonica Group Os02g0676500 (Os02g0676500)  
mRNA, complete cds

ACACCACTTTTGTATTGCAATTCCACTCTCTCAGTGATTCCAATTTAAACTGTATTATATTGGTGGGGTTTCTT  
GAGTTTCTCTCTCAATCTCAATCCAAAGTCCAAAATTTCCAAATGGGTTCTCTCTTTTCTGTTTTGCCAATTC  
CCAATCCCTCCACCATGGATTCAATCTTTTTCTCTGGGATTTTTACACTCTCTCCACAATAAAACAGTCACTATC  
TGATATCGACACCCACCAAGTTGATTAACTTTAGTTATACTTCCCACTCCGTGCAAATTAATTCAAAATTTAG  
CCTCTTTTTGCCTTTCCCAGTTGGGTTCTAGCGTTTTCTTGAAATGATTCATCATGGGAATCAAATTTGTTTTG  
GTTTTGGCGTGGATGGGATTGGAATTCCTCAGATGTTGAAGCTGCCAAAGTTAGCACGATTTTAGTTGGCAA  
TAGAAGACACTGTTGAATTGTGGAACTGTTTTATTGGGAAAAATTTGAGTTTCGATTGGTGTAGAAGAGAA

ATTTTGAGTTGAGGAGAAAAGGGTTTTTGTAGAATGATGTCTTCGGGAGTGAATTTGGTGATGACAGTGATT  
GGGTTCACCTGTGAGCACTTTGTTTCATCGTGTTCGTTTGTACAAGGCTTGTGTGCTAGGATTCATCCCAATGC  
TTCAAGGCGCTCCTTCCCAATCGCTTCTAGATCCGATCTCAGTGGGTTGGAACGGGGATTACACGGTGTAGAG  
CCTATGGTTGTAGCCAACCTTCCAACATAAGAAAGTATAATGATGATTACTTCTCGTCTATGAGAAATGCTCAATG  
CACAGTTTGCTTGGCAGATTATCATAGTGAAGACTTATTGCGCATTCTCCCCTACTGTGGACACTCCTTCCACGT  
GAACTGCATAGACATATGGCTGCATCAGCACTCAACATGCCCGGTTTGTGCTCTATCGCTACGCGAGGTCCAA  
GACAAGAAACGAACAATGCAACCCCTTGTAGCTCAGCAATTCGCTCTCTCAACTCAGATCCCTGCCGCGGGTT  
CCCATTAAGAGACCTTGAAAACAATGGGTTGGAACAACCAATCCAAGAGAATCACTACACACCTGGGGCTAAT  
GGAGCAGTGGATCCAATAGAGAACGCTTCCCCATTTATCGAAGGTAACCAGAATAGTAAAGGCTGTAGAAAC  
AAAAATGTAGAAAGTCCATCAAATGCTTGAGCATCTCTGATAGGACACTGGACCCGATCATATAGAACCGTGT  
CCAAAAC

>trans\_c\_879 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

CTGAGATGACGGAATCCGTAAAAATTATTCAACAAGCTTTGGAAGGAATTCCAGGGGGACCTTATGAAAATTT  
AGAAATACGATCTTTTGATCGAGCAAGGTCTCCGGAATGGAATGACTTTGACTATCGATTCATTAGTAAAAAA  
CCTTCGCCAATTTTGA AACGCGAAACAAGAACTTTATGTGAGAGTCGAAGCCCCAAAGGAGAATTGGGC  
ATTTTTTTGATAGGGGATCAGGGTGGTTTTCTTGAGGTGGA AAATTCGCCCCGCGGGTTTTATCAATTTGCA  
AATTCTTCTCAGTTAGTTAAAAGAATGAAATTGGCTGATATTATGACAATACTAGGTAGCATAGATATCATT  
TGGGAGAAGTTGATCGTTAAAATGATAATTGATACATCAAGTCCAAGATATCAATCTTTTTCGAGATTGGA  
ATTCTTAAGAGCGAGATATGGAATTCTATGGGTACTTGTCCCTATTTGACTACTGTATTGGGAATCACAATAG  
GCGTACTAGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCCGCAGGAATACAACAACGGATTGGACCTGAATATG  
CTGGTCCTTTGGGAGTTCTTCAAGCTTTAGCAGATGGTACAAAACACTTTTTTAAAGAAAATCTGCTTCCATCTA  
GAGGTGATACTCGCTTATTCAGTATGGGACCATCCATAGCAGTCATATCAATTTTACTAAGCTATTCAGTAATT  
CCTTTTGGTTATCGCTTGTTTTAGCCGATCTACCTATCGGTGTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTGTGCTC  
CCATCGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCCAATAATAAATATTCCTTCTTAGGTGGTCTACGAGCTGCTGCT  
CAATCAATTAGTTATGAAATACCATTAACTCTATGTGTATTATCAATATCTCTACGTGTGATTGTTGAGACATA  
AATTCTCCCACTTTTTTTTCGAGAAAAGGGTTGAAATGCATTGAATAGATATCCTCATTTTTATATTTATTATTC  
GGATTAATGAACTAAATCAGATAGTTATATGAGTGAAAGAAAACAGCTTATATAAATAAAAATTAGCAGTCAA  
AATATTAAGTCTCATTTTCTATGTATAAGAGTTAAGCAGAAAAAATATAGGCGCAAGATAGCCGCAAGATTG  
GGCCACTAGATATCCTGTCTTGAAGCGGAATCTGAAGATCAAGCGGATTGAGTTTTCACTATTATTTTAGGTA  
CTACCATAT

>trans\_c\_880 AY062607|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

TCCACTTTGGTCAGCAAAATTTCTTCAATAAACTCCCTTCTAGGCGTGGGCGCGACGACTTTTCTCAAACCTTGAA  
GTTCTACCTTTATTCTGTCTTCGCTTCCAAGGGGAGTTTGATGGGCAAATTCATTTAAGTTGAATCCAGCAA  
GTTGGAGACGAATCCTAATATGGGTTGTGGGAATTTGTTCTTCTTGTTCTGGTAACCTTCTCGGTAGCTCTAA  
TTACTTACAACATTATCCTCTCTGCTAATGCCCTCTCAAGCAAGAACTTCTGGTCCATCAAGATCTTCATCTTC  
AATTACCGTGGACCCCGTGATTAAGATGCCCTGGATAGATCAGAACTTCTTCTTCAAACGACTCTTCCATA  
CGGCAGTTACTGCGTCGGATTCGGTGTACAACACTTGGCAGTGTGCGATCATGTACTACTGGTTCAAGAAGTT  
CAAGGACGGACCTAATTCTGAAATGGGTGGCTTACCAGGATCTTGCAATTCGGGGAAGCCCCACAAGTATAT  
GGACGAGATCCCCACCTTCTTGCTCAGCCTCTGCCGGCGGGAATGGATCGGGGCTACATTGTCCTCAACAGA  
CCGTGGGCATTTGTGCAATGGCTTCAACAAGCGGACATCAAGGAAGATTATATACTCATGTGAGAGCCGGATC  
ATATTATTGTCAAGCCTATACCAAATTTGTCTAAGGATGGGCTTGGGGCAGCGTTTCCATTCTTTTACATCGAA  
CCCAAGAAATACGAGAGTCAATTACGGAAGTTCTTCTGAGGACAAGGGTCTATTACCAACATTGATCCAA

TAGGGAATTCACCTGTTATTGTTGGAAAGGAGTCTCTCAAGAAAATTGCTCCCACTTGGATGAATGTTTCTTTG  
GCAATGAAAAAGGATCCTGATACAGATAAGGCTTTTGGTTGGGTTCTTGAAATGTATGCTTATGCTGTGCTT  
CTGCTCTACATGGTGTGGTAACATCTTGATAAGGACTTTATGATTACAGCCCCATGGGATACAGAAAGTAGG  
CAAGAAGTTCATAATCCATTATACTTATGGTTGTGACTACGATATGAAGGGAAAAGTACTTACGGTAAGATT  
GGAGAATGGAGTTTGATAAAAGATCATATGATAATGTTGTTCTCCTAGAAACCTTCCCCTGCCACCACCCG  
GCGTCCCTGAAAGCGTGGTAACACTTGTGAAAATGGGTAATGAAGCCACAGCAAACATTCTAACTGGGGAT  
CTTACTCCCGTCTGTG

>trans\_c\_881 AB024511|Nicotiana tabacum mRNA, complete cds, 1290 bp sequence

ACGAAGAACTCTCCATCTCCACTTCTCTACGAATTCATATCAACTGCAAAACAGACAGCCGGCAAGAGATCCAA  
CTATGGGGTTCTTCACCCTGTCCGTCGCCGGCGGTGGTTTTCTTCTCATCGGCGCCTGGGAGGCACTCTCTTCC  
TTGAATTCCATTGCCAATCAAATCCAGACCATCTTCTCTTCTCTCAACACCGTCCAAACCCCATCTCAATCTCC  
ACACTCAACCGCCAAAACCGCCCCCTTCTTCATCCTCTCTCTCCTTCATCTTCGCTTTTCTTCTCTCATTTCTCGTCA  
TCTTAAACTCCCTCGTTTCATTTTTTGACGCTGTCAATTCCAGCGACCGAGTCGGTTCCACCCTCCAGTTACCAG  
TTCTGGCCATTGCTTCTCTTCTTCTGCTCTATTCCATACTCGGTCTTTTGGTCAATCTCAAGGCTTCACTTCACCTT  
CCCTCCACAATCCTTAGTTTAAATTGCGCTATTGCTTTTGTGGAAGAGTTTTTGTGTTCTACCTCCAGAGGAAA  
GACACTAGTGGAATCGAGAATCGGTATTTTGATCTCTTGCTTGTCCATTACGATTTGTGTTATCTCTACAATG  
TTCGAATTGAAATCCCCCAAATTGAGTTCTCCCAAATTTGTTCTGTTGGGTTGGGTTGATTCTGCAGGGGACTT  
GGTTTTTACAAATGGGGTTGTCTTTTGCACCAATTTGATAACTGATGGGTGCTCTCTGCACGAAAAGAGCAG  
AGGAAATTACACTATAAAATGCAAGGGACACCCTGAATATCACAGAGCCAGAGCGATTGCTACGCTTCAGTTC  
AATTGCCATCTTGCCCTTCTAGTGGTTTTGGTGATTGGTGATATTCAATCATCATTACAGAAATGGAGGCGC  
CGGTGATTTTTTGCATTACCGCCCGATTGGGGCGGAGATGCAGCCATTGGGTTTCAGGGTCAGTTCACTTTG  
GATTCTGATGATGATCTTGGTGAAGAGAGCAACTTGGGGAAGACAAAGCAAGCGGTGATCAATGTGAATGGT  
CACGATGCTCATCAATGAGGTAAATTCCATCGGAAATCGAACAGGGAATGTAAACTTACGTTTATAATTGTTT  
GAATATGGTTAGTTTAGACTGCAGATGTTGTGATTAACCTGTATTGATATGCCCTCTCAGCGGCACTGATTTGG  
TTTTTGTATTATATTGACCAAGAAATAGAAAGAAGTTTTGCTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_882 NM\_001067938|Oryza sativa Japonica Group Os08g0266300 (Os08g0266300)  
mRNA, complete cds

ACTCACTGTCCATTTCTGCTTATACAATCCCCACAACAATGTCTTCTCTACCTCAACTGGTTAATTTCTTCTCA  
GCCATGGCCGCCGCAATTTCTTTACAATCTCTAACCTTCTCTGTTCTCAACTCTCTAAACCCGTTTCTAGAT  
TTGGGGCTCGCCGTCTCAGAATCATGGCTGCGGCTACCGGAACTAAGGTGGTGCCTGCCGTGATTGTTGGAA  
GTGGCCGCGTTGGGAGGGCGCTTCTGGATATGGGAAACGGCGAAGATGTTTTGGTGAAGAGAGGCGAGTCG  
GTGCCTCTTGATTTTTCGGGTCCGATTCTTGTGTGTACAAGAAATGATGATCTTGAGGCTGTTCTTGAAGCTAC  
TCCTCGATCGAGATGGAACGATTTGGTTTTTTCCAGAATGGAATGCTGGACCTTGGTATGAAAGCAAAGGT  
CTAAAGGATGCTAATCAAGTGTTAGCATATTTTGTATCTCAAAGCTCGGAGAGGCTCCAGTGGATGGAATAA  
CAGATACCAATCCTGAAGGACTGACAGCAGCGTACGGAAAATGGGCATCTGCCGTAGCAGGAAGGCTCAATG  
CTGCAGGCCTCTCCTGTAAGGTTCTTGGTAAGGAAGCATTTGAGAAACAAATGTTGGAGAAGCTGATTTGGAT  
TTCTGCATTTATGCTTGTGAGACGTCATCCAGGTGCCACAGTGGGTGCTGTGGAGAAGGATTATCGCTCT  
GAAGTTTCTAGTCTCATTGCAGAACTCGCATGCGCAGCTGCCGCTGAAAGGCAGTTGGTGTTCAAGAAGGT  
ATAGAGGAAAGAATATGTGCATATTCTCGGGCTGTCGCTCACTCCCGACTGCAATAAAAGAGTTCAAGTGGC  
GAAACGGGTGGTTCTATTCTGTCTGAAAAAGCCATTGCTGCAGGAAAACCTGACCCTTGCCCCCTCCATACT  
GCTTGGCTTAAGGAGCTGAAGGTTGTCTAGGAATGACCCTGTATTGCTATTAAGTGGATTTCTGTTTCACAAC

CGTTGGCTAATTCAAGTGAAAACGTTTTCTTCCTTTGAGAAGTAGATTTGTACCTATATTCAACCTAATCTA  
GGAATCACCTCTTTCTGCTGGTGATAGAGGAAGTCATCACCTGTACCATCCTGAATTTATTGACAGAAAAATG  
GATCGATAATGTTATGAGATTCAAGGGAAGTGAAAAATAAAAAGGAACTTCAAGTTTACAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_883 XM\_002887527|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At1g75080/F9E10\_7, mRNA

ACTCTCCCCGGAATATGACCTCCGACGGCGCCACTTCTGCCTCCAATTGTCGCCGGAAGCCTTCTTGGAGGGA  
GCGGGAGAATAATCGGACTAGAGAGCGTCGGAGAAGAGCCATCGCGGCTAAGATTTACTCCGGCCTTAGAG  
CTCAGGGTAACCTTCAATTTGCTAAACATTGTGACAATAACGAGGTCCTTAAAGCCCTCTGTGCTGAAGCTGGT  
TGGACTGTGCAAGATGACGGAACCACTTATAGGAAGGGATGCAAGCCACCCCGATTGATATTGTTGGCACTT  
CAACCAAAATCACCCCTTATTCTTCCCAAATCCAAGTCCATTGTCTTCTTCTTTGCCAGTCCTATGGGATCTTA  
CCAAGTAAGTCCCTCCTCCTCCTTCCCGAGCCCGTCCCGTTACGATGGCAACAATCCGTCGAATCTCATTCC  
TTATCTTCGCCAAGCGATTCCCATTTCACTTCTCCTCTTAGAATCTCAAACAGTGCTCCTGTGACCCCTCCCCTT  
TCATCCCCAGCCTCAAGGACTCCACAGCCATTCCCCAATTGGGAAGTCAATGCTAAAGAATCCTTCTCCTCCTT  
GAATTATCCTTTCTTTGCAGTGTCTGCTCCAGCTAGTCCGACCCGCCCTCAGCTCCATACTCCCGCCCCGATCCA  
CAAATGTGACGAATCTGAATCATCTACCAATGATTCCAATCAATGGGCACTTCTCCGTGCCTATGCGCCTTCTG  
CATCGACAATGCCAACATCTCCCACTTTCAACCTTGTGAAACCTGCTGACCAGCACGTTCTGCATGGTGGTTTC  
ATCAAAGAAAATGGAAGAGGAAACGAATTCGAGTTCTTGGGCTACAAGGTTAAGCCTTGGGAAGGGGAGAA  
AATCCACGACGTTGGATTGGAGGATTTAGAGCTCACACTTGGTAGCAGTAAGGCTCGAAGCTAAACGGAAGT  
AGAAATGATCTACAAACATAACACAATGTCTGTCTTTGAGGGAGGGAGCTTCATTCACTTCATTTCAAGCAAT  
GTTTTTCTAGTTTGTATATTACATTACAAGGCATGATTTTAGGGAGTCCCAAGTTTATAAAATGTTTCAAGT  
CAGCAATTACTATGTAGATAGGTGTAATATATGACGAGAGGGGATTGAACAGTGAAATGAACGCATATTGCT  
CTGTTTTCTTATCAAATTTCTGTTTCAATTTAATTCAATTCTCAATTTGCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_884 NM\_001050437|Oryza sativa Japonica Group Os01g0686000 (Os01g0686000)  
mRNA, partial cds

GGAATCCATTTCTCTCTCTCTTTTTCTTCTCCCTATTCTTCCCTCAACATTCATCATCATCGTCGTCATCATCT  
CATGGGGAATTACATTTCTTGCCTTAGCAACGCCCTTGATCAAGAATTCCAAGGCCGTGAGGGTCGTTCTTC  
CCGGCGGCGAGGTCCGGCAGTTCGGGACTCGGTGAAGGCGGCGGAGCTCATGCTCGAATCTCCAGTCACT  
TTCTCGCAAACGCCCAATCTCTCCACATCGGTCGCCGATTCTCCGCCCTCGCCGCCGACGAGGAGTTGGAATTC  
GGAAACGTCTACCTAATGTTCCGATGAAGAGAGTTAACTCCGTTGTACAGCGGCGGATTAGCCACGTTCT  
TCATGGCAGCCAATCTGCAGCCAGACGATTTGAGCGCTAAGATAAGGGTTTTACATGAGAATCGGAATCT  
TCAAGAATCGGAAGCGATGCCGAGAATTAGCGATGGAAATGAAGGACCGAGTTGAGTTTGAAGGAGTTG  
AGGGATTTCCGATGCATCGATTATCGGTTTGCCGGTCAAGAAAGCCATTGTTGGAGACTATTAAGAAGAACA  
GATTAGGTCAAGATAGGTAGGGAAATTTCAATAGATTGTAATGAACTCCAATTCAATTTCTCTGATCTGATT  
TGATATGATATGATCTCGATATCTATTTTTTTTTTTTAAAGAAGATGATGAATTCTCGATGGGGGATTGAAAT  
TTCATATGAGCTGAAGTTATTTAATGGCGAAACGACGCCGTTTTCGCGCTTCTCCTCTATTCCCATTTTTTTTAC  
CATTAGCCTCAAATTAATACTAAATTACCAATTTATTGTGATTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCGAAAAATTTACAAACCCCCCACCCTGGGGGGGGGGCCCCGGGCC  
CATTTCCCCCTAAAGGGGGGCTAATTACCCCCCCCCCGGGCCGCCTTTTTAAACCCCGGGGGGGGGGAAAC  
CCGGGGGTTCCCAATTTAATCCCCTTGGAACAACCCCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAGGCC

CCCCCTTCCCCCTCCCAAAATTTGCCCCCCTGAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGGACGGCCCCATTAAG  
CCGGGGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_885 XM\_002304974|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit  
(CHR936), mRNA

ATCTTCTAAAATTAAAGCTGCTCTTGAGGTTCTGATGTCATTGGCTAAACCAAAGGAATGCTATTTAAGAAAAA  
CCCCTCCCCAACTTGCTGTTGTTGGAGCCAGTGAGAAATCAATGGATGCTTCATCCACAGAACTGCGTCTGGA  
AAGTTCGGAGTGCCAAGATTCTACAAACAAAAGCTCTTGCGAATTGGTTAAAAGAGGTGGAGAAAAAGCTAT  
AGTCTTTTCTCAATGGACGGGAATGTTAGATTGCTCGAAGCATGTCTAAAGAACTCCTCCATTAGTACAGAA  
GACTTGATGGTACCATGTGCTAGTACTTGCTAGAGATAAAGCCGTAAAGGATTTTAAACAATCTCCGGAGGTGTC  
AGTTATGATCATGTCTTTGAAAGCTGCTAGCCTTGGTCTAAACATGATTGTTGCCTGCCACGTTCTTCTATTGGA  
CCTCTGGTGGAATCCTACAACCTGAAGATCAAGCAATTGATAGAGCACATCGAATTGGGCAAACTCGTCCTGTG  
ACAGTGTTGAGATTAAGTGAAGAGACACAGTTGAGGATCGTATTTAGCCCTCAGCAAAAGAAAAGAGAG  
ATGGTTTCATCTGCCTTTGGAGAAGATGAAGCAGGTGGTCGACAACTCGTCTCACAGTTGAAGACCTGAACT  
ACCTTTTTATGATGTGATGATAGTAGATATAACTACAATTATTCTTTGGAATTGGCTGATTTAGTCTAACATCAT  
ATGCACATATCATATCGAAGTTTTAGGAGGTGAAGGCTGGCTGCATTGGTTCTAATTTAGAAAGCAAGTTGT  
CCCAACCATATTTAGGTTAGATGGCCAACCTTATGTCACTTTGAACAGCAGATTTGACGACACAGCTCCTTTTA  
CCAGAAGATTTGTGAATAGCAACTATAGAAAATCTTTGAATCCATTTTGCCCACTCATTCTTTTCTCACTCAC  
AATTTGATGATCCCTTTGTGACTTCAGTTTTACATCCCATTCCCTTAGTATATTCCACAGGTTGTAAAGATCAGA  
AATTTATAGAAAGGATAGAAGTTTCAATCTGTTAAAAGACTCTTTTCTTTTCCAAGTGTAATAATATAGATAGT  
ATTATTTGCTTATCCCAGCTCTATGGTGTTTGTCTCTCTTTTTTTTCTTGTTACATAGATTATCATATTTT  
TGTAATAATTAATTTATTGTTCCATTGGTTGAGGGAACTGTAACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_886 AJ344108|Lupinus albus mRNA for ATP citrate lyase b-subunit (aclb gene)

CCATAGACCTCAATTGGAACACCAAGTTCTTCACCAACTGCCCTCATCTTAGCAAGCCCTCTCTGGTAGTTGGG  
GCCTCTCTCCTCACATAAATACTCATCCTAGCTGCTTTTAGCCTTGATTCTCTCCTTCAAGGCCCGAATTATG  
CCATTAAATGTAGCAGCTACATCAGTAAAGTTCGCTATTCTCCTCCAATCACGAGTGCTCTCTTTGGCCATCG  
GGGTCTGCAGTTGCACAATCAATAACAACCTCTGGCATACTGCAACACCTCTTCTCATTAGGCGCTCCACTATA  
TTCTGCATAGTTTCCGAGCTCAGAGGCATAACCAAGATCTCCAACCGTGTCTGCATATATGACACTTGCAACCAC  
CTCCAGCCACCATGGTCCAAATACGTCCCTTGGGGTTCAAACTGTGAATTTCAAAGATGCGCTTGTCTTTTCG  
TCTAGGCCATGGATAAAGCTCTCAGTGGGACTCATAACCCTACCAATGGCATTGGAAATTCAATACTTCCCCA  
CTTCTTGAAGTTCTTGAAAGCAGCAGTATCATCTAGTTCACCCCTCATATCCAAAGGATAGGGCTTCTCATCAA  
CAATCGCAAAAGGATTCAATTTCAAGAAAGTAAAGTCCAGATCTTGGAATAGGGTATAGACTGCCTTGATAAA  
CTCCTCGATTTCTCCTTTGATCTCCAAAGGAAGGGTTGCCACCAGCTCGGCGCATGTTTCCGAAGTGAGGGAC  
ACTCCTGTGGGGATAAATATGGTTTTAACCTTATCCAGTTCTCTTCGATTTCAATTCCTCCACACTCCGAGAAG  
CTAATGCTGCACCCAAGTCTCTCTGAGACAATATTGAGATAGTATTCTCCTTGTCGGAATGAAGGGTCCAC  
AATAAATGTGGTGATGGGTCCCTTACATCCACCCATTGTTACCTCTTTCCAAGGCGCTCTTTCACAAATGCAG  
CAACCTGAGCCAGATCAAGATTTAAGGCGACTAAACCACTTTTGCCACGCTTTCCAAACAACATGTCAGGCTTC  
ACGACCAATTTTGATGAAGAAAGCCAAGGTTCTTCTCAACAAGCTCATTGAAATCAGTTGATTGAGTACTGAT  
AGCGGATTGGATGGGGAGTTCTTACCAGAGATCCGTTTGAAGTGCTCCTTCAACAATCTCTTAGAGTCGTAT  
TCTCTGATCTTCTGCGAGCCATTTTACAAAGCCTTTGGATTAGAAGTAGGAGGAGGAGGATGGAAGTTGAT  
GAATT

>trans\_c\_887 Novel Gene

AGGGCGGGTCTGAAGCGGAGCTCTCATCCCCATTGTTGTGTGCTCCATTGCCTCTCCGTCCAACACTTCTCTG  
CTTTTAAAGATCTCTCTGTTTCAATACCTTCAAGGTTAGATCCCCTTCTCCTCACTCTTGGAGGGGGTTTTTCCCC  
CCATTTCTTCCCCTATTTCTTTTCTTTTATCATCTAGGGTTCTATCCATCCTCACTCTTTTCTTCTGCTTAC  
TCCCCCCCCCTGATCTTCCAGATCCAACAAGATTTCAATTCTTCTGACGGCCCCACGTTACCTTCAAGGGC  
CAAACCCCAACCCCTTTCTCGGTTCCCTTTATTTCCCATTTATTGTTCTTGGGGGTTTTCTTTCATTTGCC  
ATTTTCTTGGGTTTGTGACATTGAGGTATGTCGATTTTGCCGAAAGGTGAATCGATTAATATCCGTGAGGTG  
TGGAACGATAATTTGGAGGAAGAATTTGCTCTTATACGTGATATTGTCGACCAGTTAACTACATAGCGATGG  
ACACCGAGTTCCTGGCGTGGTTGTTGCCCCTGTGGGTCTTTTAAAGAATATTAACGAGTATAACTACCGAAC  
CTCAGAGAGAATGTCGATACCTTAAAGTTGATTCAATTGGGTCTTACGTTTTCTGATGAGAATGGGAATCTCCC  
AATTGTGGAACAGATAAGTTTTGTATTGGCAGTTCAATTTCCGCGAGTTCAATATTTGTGATGATATATG  
CAAGTGATTCCATTGAGCTTTTGC GCGAGTGTGGTATTGATTTCCAGAAGACCCATGAGGAGGGAATTGATGT  
CAATCGTTTTGGTGAGCTTCTCATGTCATCTGGGATTGTGTTAAACGATAATATTTTTTGGGTGACGTTCCACA  
GCGGGTATGATTTGGATACTTGTGAAATTGTTGACTTGCCGAACTTACCAGAGACCCAGGCCGAATTTTTT  
GATTTGATCCATATGTACTTCCAATGGTTTATGATATCAAGCATTTGATGAGGTTTTGCAACAGTTTCCATGGT  
GGGCTGAACAAGCTTGCAGAGTTCTTAGAAGTGGAGAGGATTGGAGTTTGCCATCAAGCAGGATCAGATAGC  
CTCCTTACTGCCTGTACTTTCAGGAAGTTGAGGGATACCTTTTTCAATGGTTCTATACAGAAATATGCAGGTGT  
TTGTACGGTCTCGGTGTTGAACTGGACAGACTACCAATTGAAGACACTTCTAGTGTTGTAGCATTGTGA

>trans\_c\_888 AF112444|Lupinus luteus L-asparaginase mRNA, complete cds

AGGTTGCACCAAACCTACTATAAAAATTCATAATCCTTCTGATCTATAAAAACTCTCGCCAATCGCCGGCGGA  
TGATCCCAATAATCCTTTAGGGATGGGATGGGCAATTGCTCTTACGGCGGCGCCGGCGACATTTCCCTCTCG  
TTACCATCCGACCGCCGCCAACACGAGAGGAAACCCTCCGCCGTTGCCTGCAAATTGGCGTTCAAGCTCTCA  
AATCTCAGAAGCCTCCTTTGGATGTTGTTGAACTTGTGGTACGAGAACTCGAAAAGTGTCCACATTTCAATGCA  
GGTAGAGGGTCTGTCTTAACAACCAAGGGAACCGTAGAAATGGAAGCTAGCATCATGGACAGTACGAAGAG  
ATGTGGAGCTGTTTCGGGTCTCACCCTGTCGTTAATCCCATATCTTTAGCTAGACTTGTATGGAGAAAACTC  
CTCATATATATCTGGCATTGATGGAGCTGAACTTTTGCAAGGGAACAGGGAGTGGAGACCATTGATTCAAG  
CTACTTTATCACACCACAGAACATTGAAAGGCTACAACAAGCTAAAGAGGCAAACCGAGTGCAGATTGATTAT  
ACGCAACCACTTCCACAAGCCACAGAACAAGAACTGAGAATTCAAATGGTGATAGTCACATAGGAACTGTTG  
GATGTGTGGCTGTTGATAACCATGGAAATTTAGCTTCAGCAACTTCCACTGGTGGATTAGTGAACAAAATGGT  
TGGAAGGATTGGCGACACTCCGGTAATAGGAGCCGGCACATATGCTAACCATCTCTGTGCAATTTCTGCCAC  
TGGAAGGGCGAAGCCATCATACGTAGTACCGTGGCGAGGGATGTGGCAGCTCTAATGGAGTTCAAGGGCC  
TGTCTCTAGAAGAAGCAGCTGCCTCTGTTGTTGAAAGTGTTCCTAAAGGCAATGTTGGTTTGATCGCCGTATCT  
GCCTCTGGTGAAGTTGCGATGCCTTTTAATACGACTGGAATGTTTCGAGCTTGTCAACTGAAGATGGGTATT  
CAGAGATTTCCATATGGTCTTCTAAACATGATTGAAAGAAAAATGTTGTGACAAAGCCATAGCTGAGATTTGG  
TTATATTTTCTGTTGTTTTGATGGTTTTGGTGTCTCTCAGCATATGTTGTTCTTCTAAAGACTAAGAATATTCTC  
CAAAATGATCTTTGGTTGTTTTAAGTAGTTCTCAATTGTTGTTCAATAAGATTGTTCTTTAATACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_889 DQ306833|Hevea brasiliensis isolate SSH104 mRNA sequence

AAGGAAAATTGAAGAAGAAAAGGACAGCATCGATATTTGAAGTCAGATTAATCAATCATCAAACCTCTCCTC  
TTAAAAATTCCGACTTTGTTTGATTCTTGCTAAGGAACCGATTACGCGCACGGAAAATCGATTTTATTTCACTT  
CTGATTGTCCGCCGGATCCTTGCCTTTTCCGGTCCGAGGATTCTTCATCCTAGGGTTTTGCTTTTGTTGTAATT  
ATCTCTTCTATTTTCATCCTTTAACCCAGGATCAACCATCCTTCCGACCCATGTTCAAGTTTTGGGGATCTCA  
GGAGGAACAGGTCCGCCCTCCACCAGATGTTTCCACACAATCATGGTATCCACCATCTGTTAGCTCCTCTCGCC



CTGGAAGCTCCAGGTAGCACCTCCTCCAACCATTCAGTTCACAAAGGCTTTCTGATAGGCCACAATCTCCATCA  
CACGTTTCACCTGCTGAAGCTGCAGGCATTATTTCTGCATTGAAAGACAAAAGTGTTGATGAGTTACGAAAGC  
TTTTGTGACACAAGGATTCATATAATCAATTTTTCTTTCACTTGACCAGGTCAAATTCAGAACAACTCTGAGA  
GATGAGCTGCGTAAGGAGACTCTTCAGCTTGCTAGTGAGAACTTGGAAGGAACACGCATCATGGAAGCTG  
AGAAATCAGTGCAGCATTATTCGGACTACTGAACTGGCTGCGGCCAAGGAGAAGCTAAACGAAGTTGACCAA  
AAGAAAGAGGAGATTTTGAAGCTCTGTTCTCCTGCTTCACTTCTACGAAGACTTCAAGAGAGTATGAAGGAGA  
CCGAAGAAGAGTCAGACAACCTGCACAGGCAGCTTCTTGATAGAGAGATAGATTTGAGTTCTTTTACTCATAA  
ATACAAGAAGCTTCGTATTAATTACCACCAGCGAGCTCTCATTCAACTTGCTGCTAAAACCACTGAACTTAA  
AAGAACTCTGACAGTGGCAGTCAATGTATATTCTTACCGACGAATTTTACTGCCTTTACTGCTTAGGTTGAAAT  
CATTTGAACCCCAGATGGGTTCTCTATCAAGTGCGTGTCTTCTCTAGTGAACGTCTGTTGTTTTACTGATGA  
TAATAAATTGATTCTTTTTTCAATTTGATGTTCTTCCCTCATTTCTTGTGCTGTGAAAATGATATTTGTCCTCTTT  
TGTTTCACATTATTTTTCTTTCTATACATAGTTTACAAGGTTGCTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_890 XM\_002868979|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata minor allergen, mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGATAAGAAAAATTTCCACATTTCAACACATTATTTAACAAACACAACC  
ATGAATCATAAACCATGTACAGAGACGACAGAAAAACAATCCACACAGGGCATCGTATATTTGCACAATCA  
CGTAACGTAAAAAGAATGACCAAAACAACACAAGACAACATACTTTGAATGGAGACAGGACAAGGAAGAA  
ACAATCGTAAATCAGGGCCGCTGCAATTTGAATGAATTCATTTTTTAAAGAAAGAAAAACAGAAACAAGAC  
ATTTTCATCAAGCCGGGAAAAGTTTTTGAAGTGTAGCAGCCATGTATTTGCCCTGATGCTATGCAAGCGCCAACT  
CTGTTTCACTTGGCTGTCTCGAGCCATCACCAGCAAAAGCTCCTGCACCATAAGGAGACCCCCCTCGTATTGTG  
TCTATCGTAAACATACCAGCACCAAAAGTGTAGCCGATGGGAACAAACAGCATTCCATGGTGTGCTAACTGGG  
TAATTGCAGTCCATGCAGTTGTTTCTTGGCCGCCCTTGAGTTCCTGTGCTAACAAAGAACCCAGCAGGCTTC  
CCTGCAAGCTTCTGCTCCTTCCAGAGCTGCCCTGTGCAATCAAAGAACGCCTTCATTTGCGCTGCCATACCCC  
AAACCTAGTGGGAAAGCCAAACAAAATGCCATCGGCAGCCACTAATTCAGCAGCAGAAATCTCGGGAATAGA  
CGGGTCCTTGGGTGGCGCTTTCATCTGGTCGAGAACCTCGACCGCAAGGTTTCCGGCACCCGATACAAAATC  
CCCTCAAACCATCAACCCCATCAACCCCTTTCTTCATCCTCTTCGCCAAGCTTTCGACATGACCATACATGGAG  
TAAACACGATGAATATCTTCAATTTCTCAACTGGATGCGACGCGGAGACAGAGACTTCGGAAGTGGCATTGC  
CGGATGAAGCAATTTGTGTGTGATCTTCTTCAACAGAGATCGGGGGTGTGTTCCGGTGTGCGGTGGCCTTAC  
ATCATCGGTGGCGTCGGCGTCGGCAATAGATGAAGGAACCTTCTTCTTGCTGGGAACACAACCTCCTCCCTTC  
CCCATGAAGAAGAGGAAATTATGGAATGATGGTGGGAAGTGAATGAGGAATTGGAGAGGGGAAAGGA  
AAGAAGATGAGTTCGTTTGTATCTGTAAAGGGGAAGGGATGGATTTTCAACCTCAGGACCCACCGTGGAAATC  
CAGATTTCCAAAAGC

>trans\_c\_891 XM\_002879977|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aconitase C-terminal domain-  
containing protein, mRNA

AAATTTAGGCATTTTACGCAAAGCTAATTACGACATAAAACACCAAAAGGAGACCCCGTTGATCTTCACATCT  
TCTCGGCCAGAAACGACCATGGCGGCTTCACTGTTTCTGTCTCGAAGCCCTATCGCCATTTCCACTCCCCGATC  
TTCACCTTCCGTTTCCCTTCTCTCTCTCAAACCTCAAATCCCTTCTTCTTCTTCAATTCCCTCTTTGATCT  
ATCCATCGCCGTTTCCACGCGACGCGCGTCTTGAAGTATCATCCCTCGAGCTACCGCTTACCATCCTCCAC  
CGCTCCTTCAGCCACCGCATTTACGCGCGTGTATGTCGTGCGGAGACAACATCGACACTGACCAGATTATTC  
CGGCTGAGTACCTAACTTTGGTCCCCTCTAATCCCAGCGAATATGAGAAGCTCGGATCCTACGCCCTAATTGGC  
CTGCCTTCTCTTATTCACACGCTTCGTGGAATCTGACGAAATGAAAACCAAATATTCTATCATAATTGCCGGC  
GACAACTTCGGCTGTGGTCTTTCACGGGAGCACGCGCGGTTGCGTTGGGAGCGTCCGGCGCCGTGGCTGTA

GTTGCTGAATCTTATGCGCGTATTTTCTTCAGAACTCCGTGGCAACTGGAGAAATTTATCCATTGGAATCGGA  
GACTAGGATTTGTGATGAATGTAAGACCGGCGACGTGGTGACAATTGAGCTCGCTGAAAGCCGTTTGATCAA  
CCATACTACGGGGAAAGAATACAAGCTTAAGCCTATTGGGGATGCAGGTCCTGTTATCGAAGCAGGTGGAAT  
TTTCGCATATGCAAGGAAAACGGGTATGATTTCAAGCTAAACGCATTGAAGTTTTTGGGTTCTGTGAGAATTCA  
TTGTTGTTTTGTTTCTTAAGTTACTTCTTTGCTTGCTACCGAGCCTAGAATTCTGTAGAAGTGTCTGTCTTGGA  
ACGTGTATGAATAAATTAATAATACAGACTGAATTAAGGCAGCAAAAATGATTGCTTTTGGAATTGAAGTCTG  
AGATGAGTCTTGCATTGTAGCCTTAGCTTCTTTAGGAGCAACATTATGTCATAGTTTTATTACAAGTTATGGAA  
AGTCTGATATTGGGATGACACATTGTTGAGCATTGAATTTGCTTGCTTTCAAAGTTCTGACCTCTACTTTGT  
TGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_892 AF345342|Arabidopsis thaliana T20G20.6/At2g05590 mRNA, complete cds

TCGTTCTTCCAATTTCTCCGGCCATTTCTCTCCGCCGACACATCTGCTTCATTCCAATTTTCAAGCAAAAAAAG  
AAAAGGGGTTGCTGAACCTCCACAAAAGTGAACCCACTAATCTCTTTCTCTTTCTCTATTCTTTCATCACT  
CTTACCCATGTTGCGCTTCAAAGACAAAGTTACCTACAGCCTTTCCCGTCTTTTCGCCGATTCGCCAGATTCAGC  
TTCTCGTTCCTCGACTCCACTCCACGGTGACCTTCTCCAGGCAGCAGGTCAATCTCTAAAGGAGGAAATGCTT  
TGTCTTCTACTTTTCTATATTCTCCGTTCTCGGGTTTTGAAGGACCCAAATCAAACCAACCTCAGAAAAATT  
ACAAGCTACATCAACCTCGCCCCGTGCCATATGATATTGTCAATTTTGATTCTCTAGAACCATTAGAGTGCAGT  
TTAGTGTGTGAAAACAAAGGCATCCGAGACAATGAGGAAGATTTTGATGACTCTGTCTCTGGAAGGAGTACT  
AGTAGTTCTGAAGTATTTGAAGAAGCAACTTGCCAAAGTAGTCCGGAAGAGATTGTGACAAATCTCACGGTTG  
ATTCTGTTCTGATTTCTCTGACACCTATGATTTCTGCTACAACATCTTCTAATATTGTGAAAGGGCGACAAT  
GGATATTGTTATATAGTACATTGAAACATGGCATATCTCTTGAACACTCATTGCAAAAGTGGTGAACTTTCT  
GGTCCTTGTTGCTGGTTGTTGGTGATCAGCAGGGTGCTGTGTTTGGCGGTCTACTAGAATGCCATTGAAGC  
CTACTGCAAGAGAAAATACCAAGGAACAAATCAAACCTTTGTCTTTACCACCATGTGTGGTGAACCACAGCT  
CTTCAGACCAACCGGAGCAAACCGCTATTTCTACATGTGTATGGATGATTTACTGGCACTTGGTGGTGGCAGT  
AACTTCGCATTACGGCTTGAAGAAGATCTATTGAATGGAACCATGGACCATGTGAGACGTTTGGTAACTCAT  
GCTTGGCACATACCCAGGAGTTTGAGTTGAAGAATGTTGAGCTCTGGGGTTTTGCCCATGCTTCGCAATATGT  
TTCTTGACGAAGATGGGATGGAACATGGAATGTTTTGCAGTTTGTGTTACATTAAGTTATTGGCTAAGCACCA  
TTTACATTCTCCAATATTCTTTTCATTTTTTCACTTTCAACTTTAGATTCTTAGATTCAAATGTCTTTAGTATCTTAT  
AA

>trans\_c\_893 XM\_002873171|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle binding  
protein, mRNA

AGGAAAGGAAAGGAAAGGAAAGGAAAGGAAAGACACGGTGGTGGAGTTCTAGGGCTCACCACGAGCTTGT  
GTACTTCTGCCTAATTTGTTTCAATTCCTCCCAAATTGATCGTCTTTCTCATTTTCAGATTCGTAGCAGAATTATCGGAT  
CAGGGTTTCGAACGGAAGTTTGTGAGCTAGGAAATTTGACGGAAGAATTCAACTTCTGGAGCGTATTGTCTCC  
GAAAATTTTGAAAATGGAGGGTACGGAACAGTGGAAGGTTTCAGGTAGAACAATTGAAGGTCCAGATGGAGC  
AATGGCTGGAACGAGGCTTGGAGTTTGTTCACCAAATACCCCAATTCAGCTCTACGTTGGGGTTGGTGTGTT  
GTTGTTTACCACGCTACTTCTTTTATTGACTCGCTTGTTAAGCGCAGGAAATCGAATACCATTTGACTCAGTGG  
GCTCAGTGGAAGTGGGAAAATATTCTTTTTATCAACTTCGCGATGGTTCTTCTCATCAGGGTACTGTTACAT  
CAATGGAACCTAACGAGGGCACTTTGTGCTTATTCTGAAATAGCAAAGAAGGACAAACTGAAGCCTGTTCA  
TCTTGTTGATGTCCCTGGGCATTCTCGCCTTCGAGCCAAACTAGATGACTTTTTGCCTCAAGCAGCTGGTGTAG  
TCTTTGTGGTGGATGCTTTGGATTTTTTGCCTCAACTGTCGTGCAGCTTCAGAGTACCTTTATGACATTCTGACTA  
ATGCGAGTGTGTGAAGAAGAAAATCCCTGTCTGATACTATGCAACAAAACAGACAAGGTGACAGCCCACA

CAAAGGAGTTTATCAATAGGCAGATGGAAAAAGAGATTGACAAGTTACGTGTATCGAGAAGTGCAATCTCAA  
CTGCTGATATCTCAAACGACTTCACACTAGGAATACCTGGCAAAGCGTTTTCGTTCACACAGTGCTATAACAAA  
GTTGCAGTTGCTGAAGCCTCTGGATTGACGGGTGAAGTATCTGAGGTGGAGCAATTTATAAGGGAAAATGTC  
AAGTTTTAGATGTATATTCGATTCTATGTGCTGATTGGTGCTTTTTTGGCCCTTCGATATGGAACCCGACATTTG  
TACTTTTGAGAATTTCTAAATTTATCTCAATTTTTGTAGTTTTTTAAGACTGAAGAAGTTATATATCCATGCC  
TTGTTCCCTTGTTGATAAAAGGACCAATATTTAGTGGGAACTGTCAGTACAATGTCACACAAAGCCAGAAA  
CGTCGTTTGTTT

>trans\_c\_894 AY054242|Arabidopsis thaliana AT3g10210/F14P13\_19 mRNA, complete cds

AAACCTCCAAGAATGGCGATCTCAACGTCATCCGATCCACTCATGTAAGTTTCTCTCAATTACTTCACGAACGC  
GAGATATTTATTTATTCTTCTGAACTCCATCCCACTCGAGAGAAGACGATCGAAGCAGAGATGGGTAGCACC  
CCTAACGATTTCTCAGTCGTTATTCTCCCTTCTGATGGCGGCATCGATTCCCGCCCACTTTTGTCTGACAAAGAT  
AAAGAGCCTGAAGACGCTGATCATTGGCACGATTGTTCTCAAAACCTTCTCCGATGAGGATTTCTCCGATCT  
CGATCTTTTGAGTTTGTTCTTGAGGGCTCCGACAAGGCTGGGAATCGTATCCTCCGTGTCGTTGGAAAG  
TACTTCCCTGCTGTTGTTGTAAGTGGAGAGCGGCTGAAGAGATATATCTTCCATAAATTCCAGAACGAATTGTC  
TGAGGGTCCATTTGCATTGTGTAATTTCTACTACTGCCCAGAAGGATGATAATTGTCCAGGCCTTACCATCT  
TGAGGTGGATTTATGAAGAACTTCCATCTGATTACAAGGATAGACTTCAATTTCTCTACTTTGTACATCCTGGTC  
TCCGTTTCGAGGCTTGCTTGGCGACTTTTGGCCGTTTTTCTAAGTGGCGGATTGTACTGGAAAATCAAGTAT  
GTGAGCCGCCTTCAGTATCTTTCGGAAGATATAAAAAAGGGAGAGGTTGAGATTCCCGACTTTGTGAAAAGTC  
ACGATGAAGTTCTTGAACACAGACCACTGACAGATTATGGCATTGAACCCGATTCCCTCAATGTCACGGAGGT  
ACCTTATTCTGCCAACTCCGTTTGGAGATATGAGGAGAGATGGATGTCAAGGCAGTACATGACATAGTAAGCT  
CGGTTAAAGAAGTTGTATTTGATCTTAGCCAGCTCCAAGGCTCCTGAGCAAGGAAAAAGAGCCATGGCTAAA  
CAAAAGTATCTGTACATTGGAATTGTGCTTTGTTGTGCAGCTTGATTGGTAACTTCTTTAGTGTTTCTTGTAAC  
TAAGGGGAATGTTATTTATGATAAGCTACCGATGTTTGATTTTAATTTATTTGTATGGTTATAGTTGATAGCTTA  
GTCAACATCTTATGCTATGCATCGTTATTGGAGATTTTAGATGTGTAGGATTACTGTTGTTGTGTACCTCATAG  
GTCTGTTCTTTATGGTTCTGTTTCTTAACTTTGCTCGTATCCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_895 BT020482|Arabidopsis thaliana At5g10750 gene, complete cds

AGGGAAGAAGGCTCCGTCCGGTGATTACTTACTTTCTCTGTTGGTGTTGATTGGTTGAAATCTAGTACCAAG  
CTGGACAACGTCCTCGCTCGTCCTGATAATCGCGTTGCGCAAGCTTTGAGAAGAGCGCAAGCCCTAGGTAAGT  
CGATGAAGAGCTTCATCATTGCGGTTAACATTCAAGTCCCTGGGAAGGATCAGTATAGTGCCGTGTTTTACTTT  
ACTACCGAAGATCCGATTCCATCTGGCTCGCTTCTTCATCGATTTCATCAATGGCGATGATGCTTTCAGAAATCA  
ACGGTTGAAATTGGTGAATCGGATCGTGAAAGGTCCATGGATTGTGAAGAAAGCTGTAGGAAATTACAGTGC  
GTGTTTGTAGGGAAGGCATTGACGTGCAATTACCACAGAGGGCCTAACTATTTGGAAATTGACGTAGATATG  
GGAAGCCCAAAGTTAGCCAGTGCGATTTTGCATCTCGCGCTTGTTTATGTCACCAATGTTACAGTAGATATGG  
GATTTCTGGTGAGGGACAGACGGAGGAGGAGTTGCCAGAAAGACTGTTGCGCGCCGTCCGGATTTGCCAG  
ATGGAGATGTCGTCGGCGACTGTCGTAGAGGCGCCGACATTGGCGCGTGGAGTATCGTGTGCAAAGGTGAA  
TCACCACAAACCTGGCGACGAAGACGATAACTGATTTCGATTCAATTGGCGGTAAAATTTACGAGTCTTTCTCA  
GTTTCATGAGTAAATTTTCTTTCAGCCTTGAAATGATAGATACGTAGATGGAAAATATAGAAGGTACTAGCCGG  
ATTCGTGATTGTAGATAATAATTGGAAAATGCACGAGATTATTTGCCTAATTGAAATTTCTCTGAAATTGAATC  
GAAATTATATCTTGCTTTCAAATCACACACCACAGGTTTTGTTCAACAATAGAGTTTGTTGATTATAATTCTT  
AGACGGGGGGTGGAAATAACGTTCCCTCATTAGATTCTGTTTGCCAGACATTTGTATGATTACAAATGAGCTGT  
TCAAATGCCGTAAATGGTGGTGGGGACGGCGACGGAGACAGCAACGGCGGAGATTTCCGTCCGTTGGCTG

TTTCTGGAATGGGGGAGTTGAGGTGTATTGGAACGTTGAGTATGTTGTGGGCCTAACAAACAGTGATATGGTC  
CATGTTTAAACATTTATCTGTAACCTTAGCATTCAATAAAGAATTTTAACCCTTCTCTTAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_896 AF033581|Cucumis sativus ACC oxidase 1 (Cs-ACO1) mRNA, complete cds

AGACAATAATAAAACATACACAAAACACACACAAAAAGAAAAAAAAAATGGAGTCCCAATCATCAACTTGG  
AGAAGCTTAATGGTGAAGAGCGACCGACCATCTTAGCCAAATCAAAGATGCTTGTGAAAACGGGGTTTCTT  
TGAGGTACTAAACCATGGAATAGAGCCAGAATTTCTAGACAAAGTAGAGAAATTAACAAAAGAACATTACAA  
GAAATGTATGGAAGAGAGATTCAAAGAACACATAGCCAGCAAAGGACTAAACGACGTCGTAACAGAAGTCA  
AAGATGTTGACTGGGAAAGCACTTTCTTCTCCGTCATCTCCCGGTCTCCAACATCGCCGATCTCCAGAATA  
TCCGACGATTACAAATCCGTAATGAAACAATTGCCTCAAATTAGAAACACTGGCGGAACTCCTCCTGGATTT  
ACTCTGCGAAAACTCAACCTTCCAAATCATATCTGAAAAACGCTTCCACGGATCCAACGGCCCACTTTTCG  
GCACAAAAGTCAGCAATTACCCACCTTGTCCAAACCCAGATCTAATAAAAGGCCTCCGAGCACACCCGACGC  
GGGGGGGATAATCCTTCTGTTTCAAGACGACAAAGTGAGTGGTTTACAACGTTGAAGGACGGGGAGTGGGT  
GGACGTGCCTCCGGTACGGCACTCGATGGTGGTGAATATCGGGGATCAACTGGAAGTGATTACAAACGGGA  
AATATAAAAGTGTTTTGCACAGAGTAATTGCGCAGCCGGAAGGGGAAGGGAGAATGTCGTTGGCGTCGTTTT  
ACAATCCGGGAAGTGACGCGGTGATATTTCCGGCGCCGAGTCTGGTGGCGGAGGAGAAAAATGAAATATAC  
CCAAAATTTGTATTCGAGGATTATATGAAGCTTTATGCAGGGCTGAAGTTTGAAGCGAAGGAGCCGAGGTTT  
GAAGCGATGAGGGGTAATAACGTAAAATTGGACCCAATTGCAACGGTTTGAATTTCTTTATTATAAATATTA  
ATCATTGTTATTCCATTCCAGGGCATTATTTATTTTATTTTATTTTATTTTATTTTGTATGTGTGTGTGTTAT  
GAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGAGTTATGATGATTGTTGTGTGTGT  
ATTTTAAAATATTATTGTGATGTTTTTATTAATTATGAAATGAGGGATTGATATGTAATGTAAATTGGTTATCAT  
ATACCCAATTTAACTTT

>trans\_c\_897 U30875|Vigna unguiculata glycinamide ribonucleotide transformylase (Vupur3)  
mRNA, complete cds

AAAAAGCATATAATCTCGAGGGATCGAGTCATTGATATTGGCGGTTAAGGACTAAACATACGTTGGGCTCCTC  
ATCATTGGTGGTGATGCTGAGTTTCTAGACCTTGGTGATGCTGAAGTGGGAGCTTGAGAAAGATTGACCATTA  
GGCGTGTTTGTTTTGTTTTGCCACTTCCCTTATCACTCATTTTTTTACCCTATCCAGTCTCACATATTCTCTCAT  
ATCCTATACAAACAATCGAAGCAATCTATTCTATTGGTTTTTTTGTAGAATGGAAGCCCAATGTTCTCTCTGTC  
GGTCTTGCCCAAATTTCTTTTTCCGTTGATTGATCTCCCAATTATTCATTCTTTTGAAGCTTCCTTCTCTGTCT  
TTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTGTCCAAACCAATCATTCCACTTTGCGTAGTGTTTGGTTCAAGGAAAATATTG  
CTGTAGGAAGGTTGTGAGTGCCAGTCTCGAAGGGGAAGTTTCAAATCTGTGATTGAGAAGAAGAACTTG  
CTGTTTTGTCTCTGGTGGAGGCTCCAATTTCCGTTGATTACGAGGCTTCTTGAAGGATTGGTTCATGGA  
GAAATTGTTGTTGTGGTTACTAACAAAAGTAGCTGTGGCGGTGCAGAATATGCAAGAAGTAAGAACATTCCA  
GTTCTTTTGTTTCCAAAACCAAGATGAACCCCATGGCTTATCTGCATCTGAGCTTGTAGCTACCCTTAGACAC  
TTTGGGATTGATTTCACTTCTTGGCTGGATACCTAAACTTATACCCCTTGAATTGATACAAGCTTATTCCAAA  
TGTATACTAAATATACACCCATCACTTCTCCCGCGTTTGGAGGCGAAGGGGACTATGGAATGAAAGTGCACA  
AAGCAGTGGGTAACCTCTGGAGCTCGGTTTTCAAGTGCAACAATCCATTTGGATGATGAGCACTTTGACACTGA  
ACGGATTCTTGCTCAAAGAGTGGTTCCTGTGCTTGCAATGATTGAGCGGAGGATCTAGCAGCTAGGGTTCTT  
AAGGAGGAGCACCGTCTTTACGCTGAAGTAGTCGCAGCATTGTGCGACGAACGAATCATTGGAGATCATAT  
GGTGTTCTCTCATTCAAAGCAAAGAACATCCTAATGAATTTACTAGTGAGCTGAAAAATGCTTGAGATTGA  
GGCTCAAACCTTCTCGATAGATCTGTGTAATAATGATATCTGCAAACCATGAAGTTTGGAGCTTTTTTTTTCACAA

>trans\_c\_898 FJ060783|Pinus taeda isolate 4620 anonymous locus 0\_16869\_01 genomic sequence

AAAGAAAGATATTTACTTCTGTTGAAATGGGATGGAGATTATGAGGGGGAAAGTCCGATAGTCCGAGGGGA  
AACAATCTGTTCCGATTTTCCTGAGAGATCTCAGGAATCCCAATTTCTTCTTTGAATTTGAAATCAACAGATT  
TTTCATTTTCAGTTTGAGTCGCAATCTTCGATTTTCTTATCCGCAACCAATCTGTTGAAATCAAATAAATTTAT  
TTTTGTTGTTGTGTTTCGTATTTTTTTGGAGCAACAACCTGATATTATTCTCAGACTGAGATAAGATTCTGATTAT  
GTTTTGGCCTGAAAGTGACTATATCTAGCTTTTGTTAAGTAAAGTTTGTTTTGATGTTTTCTGGGTTCCGCATAT  
GAGAAACTTCGTTTCCATTTGTAGCGATTGATGAGAAAATCGGGTTTAATCATATGATATGAAGCATATCCTTA  
GTTGACCGAAACTGGTTTTGAGTAATTGGAGAAGAGATTTTGGAGAATTTCTTTTTCCCTTAGCCAATCGTAC  
TCCAGAATCTTAAAGTTTGGACTTTCTTATTGATCGTTGAGAAATTGATAAGAGTTTTCTAGTTTTTTCTTTT  
ACTACATATATATTTTCATTTTCCATATGGAGATTACTGCATCAAACAAGTGCCATCTGCCACTTCTTTCCATTT  
GAGAGTCTACCTGCAAATCTTTAGGGAAATCCTCTTATTTCCGTAAACAAAATTTCCCCAAAAGTGTTTTTC  
ACTCATCTAGAGTAGAACCGATGGCCGTGTCATTAAGCCGTTTTTCATTATGGTTTTGGAACGGGAAGGAGAA  
AGAGACAGTTGCAAATGGGTGACCCCAAATCTTCATCTGAGTTCGGTACTGGTCTGAGAGAACCGGAGAG  
TCTTAAGTTCAAGAGGGTGGACTTGCCTTCTTCATCAAAGAAAGTCAATAAGCAGAAATGGCAAAGTAAGAAA  
GAAACAAGGATTGAGTGGGAATACGATTTTGTGATGGTACCATCTGGCGGTGATGACATGCAAATGTCTGAT  
TCTGGTGACGAGGCTGATTGGTCTATTGGTTGGTTGGAGCCTCATGGTCCCGGTTTTTCAGAGTGATGATAGTT  
TTGCTGTTTTGGTCCCTTCCTATAGCAATCGTTGCAAGGAGTGGGTGGAGGGTTCGAAACGTGGAGCTTTTG  
GCTGCCATTTAAAACTTCAAATGAATCTTACCTGAGAGCAAGAAGTATATGGAGCTATGGGCTTTCTTCGC  
T

>trans\_c\_899 X99348|V.radiata mRNA for pectinacetylerase

CAGACCCAATAAACGAATCAGCTCCCATTTTCCCCTTCTACGTTGGAAGATCCTTCAAAACCAAGAAAAAATAA  
AACCCATTTGATTCCCATAGCTGACTTTTTCATCTTCACTTTCTGCTTGAGGAAGAAGATGGGGTGTGAAAAGT  
TTGGGCTATGGCTATTTTTTGTGCTTCTGTACAGTTTTTCTTAAAGCACAGTGTATTAATGTAGGGATTACTT  
ATGTTCAAGATGCTGGTATCAAAGGAGCTGTTTGTGTTGGATGGAAGTCCTCCAGCTTATCACTTCAGCGACGG  
GTTTGGCTCGGGGATCAATAATTGGTTGATTCAACTCGAGGGAGGAGGCTGGTGCAACAATGTCACAACTTG  
CCTCCAACGCAGGGACACTCGTTTAGGATCGTCTAAGAAAATGGTAACCCAGCTTGCAATTCTCGGGAATTTTG  
AGCAATAAACCGCAGTTCAATCCAGATTTCTATAACTGGAACAGAATCAAGGTTGATACTGTGATGGATCTT  
CTTTTACTGGAGACGTTGAAGCCGTTGATCCCGCTACCAATCTGCATTTTCAGAGGAGCAAGAGTTTTTCGTGCC  
ATCATTGATAACCTACTCGCCAAGGGAATGAAGAATGCAAAAAACGCTATTCTCTCGGGTTGCTCAGCGGGTG  
GATTAAGTTCCATTCTGCATTGTGATAACTTTAAATCTCTACTTCCTCCTACCACTAAAGTGAAGTGCCTCTCAG  
ATGCAGGATACTTTATCAATGCGAAAGACGTCTCTGGAGCACAGCACATCGAAGGCTTCTACAGCGATGTAGT  
TACCACCATGGTTCTGCCAAGAATTTGCCTATATCATGCACGTCAAAAATGAAACCTGAGATGTGTTTTCTTC  
CTCAAAATGTGGTTCAGCTCATTACAGACTCCAATATTTCTTGTAATGCAGCTTATGATTGATGGCAGATAAAG  
AATATATTGGCACCTGGTGTGCGGATCCACACGGTACTTGGCACGAATGCAAGTTCGACATCAAAAACCTGCT  
CGCCGATTGAGTTGCTATCATGCAGGACTTCAGGGTTGAGTTTTGAGTGCATTGACTGGGGTTGGAAGTTC  
TTTATCAAGAGGATTGTTTCATAGATTCTTGCTATGCCCATTGCCAAACCGAAATGCAGGAGACGTGGTTACGA  
TCGGACTCTCCCATGCTGAGTAAGACGCCCATTGCAAAGGCAGTTGGAGACTGGTTTTTCGACAGGGCTCCGT  
CTTGAGGAG

>trans\_c\_900 NM\_113593|Arabidopsis thaliana AFB2 (AUXIN SIGNALING F-BOX 2); auxin binding / ubiquitin-protein ligase (AFB2) mRNA, complete cds

ATGATCGAGATTCTGAGATCTATGACAATCTCAAGAACACCCTTCTGAAATGCAAATCAATCAGGAGTTTATCT  
GGTTTTTTAGATGTTTCTCCTTGCTGCCTGGCCTCCATTTACCCAATTTGCTCCAATTTGACATCCTTGAACCTGA  
GCTATGCTCCTGGGCTTCATGGCAATGAGCTCATAAAGGTCATTCACTATTGCGAGAGACTTCAACGATTGTG  
GATTCTGGATGGTATTGGAGACAAAGGACTGGAAGTTGTTGCTTCATCTTGTAAACGAATTGCAGGAATTGAG  
GGTTTTCCCATCTGACCTCTCCGGGGCTGGTAATGTTGCTGTACAGAAGAAGGTTTGGTAGCCATATCGAAG  
GGGTGCCCCAACTTCATTCGATATTGTACTTCTGCCATCAGATGACAAATGCTGCCCTTGTAAGTGTAGCAAA  
GAACAACCCAACTTCATACGTTTTAGGCTGTGCATCCTCGACCCACAAAACCAGATCCTGTTACTGGGTATC  
CACTGGATGAAGGTTTTGGGGCGATTGTTCAAGCGTGTAAGGTCTGAGACGTTTATCTCTCTCAGGCCTTCTT  
ACGGATCAGGTATTTTATTACATTGGTGAATATGCAAAGCATCTAGAAATGCTTTCGTTAGCATTTGCTGGGAA  
CAGTGACAAGGGAATGATTCACGTATTGAGTGGTTGCAAGAACTTCGCAAGCTCGAGACCATGGACAGCCC  
GTTTGGTGACATGGCACTTCTGCAGGACGTTGGGAAGTATGAAACAATGCGATCCCTTTGGATGTCGTCTGT  
GAGATTACTCTTGGTGGCTGCAAGACATTAGCAAAGAAGATGCCGAGGCTGAACGTGGAGATCATCAACGAG  
AATGATCAGTTGGGATTCTGCCGCAATGTGGATATGATCAACGAGAATGGTCAGTCAGAAGTCTGCCGTGAT  
GATGAGCAGAAAGTAGGGAAAATGTATCTGTACCGTACATTAGTAGGACCAAGGAAAGATGCTCCTAAGTTT  
GTATGGACATTGTAGATTGATACTTCTTCCATCAAGGCTTCTGAATTTTACTTTGTACCTTTTTCTTTGTTAGGC  
AAACTGACCAGTGGGATTTTTATTAGCTATGTGAGCTTAGTGTATTGGTGTATTGTAATTATNNGGAGTT  
CTTCAATTTGTAATCTGCATTGATGTTAGACAGACTTTGCAATTCCAGTTTTCTCATTTCTCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_901 XM\_002872127|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

CGGAGATACAATTTGAGGTTGATGCATCCACTGTTTGACTCAGTTTAGTGGGAATTGCATCCGGAGTCTTCAA  
CAAATCAAGTGATCATGATGTGCAAATGGTCACTATTCAAAGCTGGAGGCTCTGGAGTCCCCAGTGCTGCGT  
TGTAATTATTATATGGGTTCTTAAACTCTTCTTTTTGGATGAACTCTCCTCATGGAGTTCTGATGATTGGAGC  
TGTAACAAGTTTCTTGATAATTTGTTGCTGATGTGCTGTGATCTGCAGCTGTATAGAAGAAAGCAACAGTGT  
CATGGCCTGTTTGACGGTGAATAACATGCCTTTCTGGCTTAGGATCATTGCTAAAGTCCTTCTATATGCAG  
GTGCTTTAAGCTTCTATCCAGATTCAACCATTGTCCTGCATTGGAAGATATTATTTTCCATGGCAGAGGTTGC  
AACTTACTCAAAGCCTCAACCAATTGGGACGGAAGAAAATCAACATATGACATGCAGAGGAAAGGAGATAAG  
AACTGTGTACACTGAGCAGTTTGATTCTCTGGCGTTGCCCTTGAGAAATCAAATGACCCCCAGGAGGTGTTG  
GAGAGGGAATACATGCAACATGGATGTGCACATTATAGGCGAAGGTGTCGTATCAGAGCTCCCTGTTGTAAT  
GAAATATTTGATTGCCGTCATTGCCATAATGAAATAAAGAATAGTATTTGTGTTGATCAGAAAGAAAGACATG  
AGATCCACGCCATGAAGTCAACCAGGTTATATGCTCACTCTGTGGTACAGAACAGGAGGTTCCGCAAGACTG  
TATCAACTGTGGTGTGTGTTTTGGAAAATATTTCTGCGAGAGTTGCAAGCTGTTTGATGACGATACCTTAAGA  
AGCAGTATCACTGTAATGGCTGCGGAATTTGTAGAATTGGAGGGCGCGAGAAGCTTTTCCACTGCCATAAGTG  
TGGTTGCTGCTATTCAATTCTTCTAAAAAATAGCCATCCTTGCGTTGAAGGGGCAATGCATCATGACTGTCCTG  
TTTGCTTTGAGTACCTATTGATTCAACAAATGATGTTACAGTAATGCCATGTGGACACACCATCCATCAAAAT  
TGCTTGAAGGAGATGAGAGATCACTTCCAATATGCTTGCCCTCTTTGCTCCAAGTCCGTTTGTGATATGTCAA  
GGTGTGGGAAAAAATTGACATGGAAATTGCAGCTACGCCATTCCAGAGCCGTACCAAAACAAATGGTCTG  
GATTCTTTGC

>trans\_c\_902 U20808|Vigna radiata auxin-induced protein mRNA, complete cds

ATGCATATTCAATTCAAGTAAGCAGTGAAGTTTTCTAATCAAACCCCAAAAAGTTTCGCTCTCGGCTTCAACAA  
TTTGGGATCTTTTCTCCATTCCATCCATGGCTGCCGTTTCTATTCCACACACATGAAGGCTTGGGTTTACCAT  
GACTTTGGCAACACTCCAGATGTTCTTAACTGGATTTCATTACCCAGTTCCTCAAATCAATGAAAATCAGTT  
GCTCATCAAGGTTGTTGCTGCATCTTGAATCCCATTGATTACAAGAGAATCCATGGAGCTTTGAAAGCTTTTA

ACTATTTCCCTCCGTCAATACCTGGCTATGATGTTGCTGGTGTGGTGGTGAAGGTGGGAAGTGAGGTGAAAA  
AATTCAAGGTAGGAGATGAAGTTTATGGAGATATAAACCATAAAGCATTGGATAAGCCAAAAAATGTTGGCA  
CTTTGGCTGAGTACACTGCCACAGAAGAGAACGTTTTGGCACTGAAGCCTAAGAATCTGAGTTTCTTAGAGGC  
TGCTAGCCTTCCCCTTGCCATGGAACTGCCTATGAAGGTCTTGAAAGGGCCGGGCTTTCCCCTGGAAAATCG  
GTTATTGTTTTGGGAGGTGCAGGGGGAGTCGGAGCTCATGTTATACAGCTTGCAAAGCAAGTGTGTTGGTGCA  
TCAAAGTAGTTGCTACTGCAAGCACATCAAAACAGGATCTCTTGAGAAGCTTAGGAGCTGATCAACCTATTG  
ATTACACAAAGGAAAACCTCGAAGACCTTGATGAAAAATTCGATGTAGTCTACGATGCAGTCGGTCAGCCTGA  
TAAAGCGGTTAAGGCATTGAAAGAAGGCGGAAGTCTTGAGCATCGCTGCACCAGTTCAGGGTTCCCGGA  
TGCTTTCTCCTCCTCACTTCAGATGCTGTCATGTTGGAGAACTAAATCCTTATCTGGAAAGTGGGAAGGTGA  
AACCGCTTATCGACCCCAATCTCCGTTCCATTCTCCGATACACTCGACGCATTTGCGTATCTTGAAACCTCCA  
GAGCTACTGGAAAAATTGTGATTTATCCCATCCCTTAGAGGCAAGTTGATAGTAATTTTATGTGATATGACTG  
GAAAGTCCCTTGTTGTTGAGAATAAGTTGTGCGAAATCTGCACACAATGGTTGTTCTTTAGCACTGCCTCTG  
TTTTACATAATGTACATTGTTGTGGTATTGCTTATTGTTTTGAAGATTGATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_903 XM\_002302474|Populus trichocarpa histone ubiquitination proteins group  
(HUPA902), mRNA

AGATTAGAATTGCATCTCAGCAAACAAGGGAGTCACTTGATCAATCTCATTACAAAGTTGAAAAAGTCGGAC  
AACTCAAGCAGAGCTGCAGATAGAATTAGAAAAAGAAAGGTTTGAGAAGAAAAGAATAGAAGAAGAACTAG  
AAGTTATTGGCAGAAAAGCTTCACGGCTTGAAGCACAGATGGAAAGCTCATCAGTAGTTGAAAAGCTTCATG  
AGGAACTTGGGGAATACGAAAAGATAGTGAATTGCAAAATTTGTGTCAACAGTAGAAAGCAGGTTGTCATTA  
CAAAGTGCTTCCATCCGTTCTGTAATCCCTGTGTACAAGATATCTTGAACAGTCAGCATCGCAAATGCCAAGA  
TGTAGTGCAAGTTTTGGGCCCAATGATGTCAAACAAGTTTCCTTTGACTTGAAAGTTTGAAACTGCTCATACG  
CACCTCACAACATGACTTCTTAGCTGCCTTTGGTCGCACATTTTCATGGCCATTTGGTTGACGCACGAGTTGACA  
TGGGGATATAAACAGGTTTACCTGTATGACTATGTAGAGTGTAAGGCAAAGTGCAAACAGTGCGTGAGACGA  
GAGCAAGGAATGTGGAATTCCTGCTGCATAACAATTTAAGCTAATCATTTAAATTGTTGGCTTGATTGAAGGTT  
GTGATTTTATTGAAAATTTATTAAGATACAAATTTGTTATAGCTTCCCTTATGATGTGCTTGGAGCAACTGGAA  
GCTTTCAATTCAATATTTGCAGATTATTCCGAATTGCTTCACACTGCTAATACAGCCATGGATGGACATAGACA  
AGGCTTACTTTGCTCAACCAAATAGTTGCGCTCCCACCCCAACAGTGGAAGCTACAGTTGATGTGTGGTGTCT  
TAATGCAACGGGGTTTGCCCTGCCCCTCTCAAACAGCTGGTGGGGACAACCTCATCTCTCTGCCGGCAGAAAT  
TTTTGTACATGACTTGTTAGGCCCTAGAAGCTGATATTTTCATTGATATATCTTATACATTCATTCCTCTCTC  
TTTTCCCTTCTGGTGTATTTGAGCTTCCATGTTTTGATGTTTAGTGAATCTGTCAATGCACATGAGGTGCAGAA  
TTTGTGTTGAAGATGCTTCTTGGTATAAGATTGCTTGTTTATTTGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AATAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_904 U36430|Glycine max dynamin-like protein SDL5A mRNA, complete cds

GTGTCTTGACGAAGATTGATCTCATGGATAAGGGAACAGATGCTGTTGATATTTTGAAGGCAAAGCTTACAG  
GCTGAAGTTTCTTGGGTTGGTGTGTAATCGTTCACAAGCAGACATCAACAAAAATGTTGACATGATTGCA  
GCTAGGCGTAGGGAGCGTGAATATTTGCTAGCACTCCTGAATACAAGCACCTCGCCCATAGGATGGGCTCTG  
AGCATCTAGCAAAGGTCCTTCAAAGCATCTAGAAACGGTGATCAAGTCCAAATCCCCGGCATTCAAACCT  
TATCAACAAGACCATTTCAGAACTGAATCCGAACCTAAGCCGTCTTGGAAGGCCTGTTGCAAATGATGCTGGG  
GGTAAACTATACATGATTATGGAGATTTGTGGGCTTTTGATCAGAATTTTAAAGAGCACCTTGATGGCGTGC  
GTCCTGGTGGTGATAAAATTTACAATGTCTTTGATGACCAACTTCCTGCTGCGCTGAAGAGGTTGCAGTTTGAC

AGGCAACTGTCAATGGAAAATGTAAAGAAGCTTATTACTGAAGCTGACGGATATCAACCTCATTTAATAGCTC  
CTGAACAAGGATATCGTCGTCTTATTGAATCTACTTTAGTTACTATTAGAGGCCAGCTGAGGCATGTGTTGAT  
GCGGTTTCATGCCATATTGAAGGATCTGGTTCACAAAGCGATGGGTGAACTCTAGAATTAAGCAGTATCCTG  
GTCTTAGAGTGGAGGTAGGAAACGCAGCTATTGAATCCCTAGAAAGAATGAGGGAGCAAAGCAAAAAGGCT  
TCACTTCAGCTTGTGGATATGGAGTGTAGCTACCTGACTGTTGATTTCTTCGGAAGCTTCCTCAAGATATTGA  
AAAGGGAGGCAACCTACGCATTCGATTTTTGACCGATACAATGACTCATATCTAAGGCGTGTGGAACAACG  
GTGCTATCTTATGTCCATATGGTTTGCGCAAGCTTACGGAACCTCGATTCCCAAGTCCATTGTTTACTGTCAAGT  
ACGAGAAGCCAAAAGAAGCCTCCTCGACCACTTTTTCACTGATTTGGGAAAAGTCTAGAGCAAAAACGCCTATCA  
TCATTGTTGAACGAGGATCCAGCGATCATGGAACGGCGTACTGCCCTAGCTAAGAGGCTCGAGTTATACAGA  
AGTGCAACAAGCAGAAATCGACACGGTTGCTTGGTCAAAGTAAGATTGTTACATGTATAATATCTTTTCATATG  
TGGGAATGGGGA

>trans\_c\_905 AF372912|Arabidopsis thaliana At1g26660/T24P13\_4 mRNA, complete cds

CTCTTGATTCAAAGCTTTAAGCTTTACGGGGTTAACATTCCGCCCTAGCTTTCCCTCCCCCGCTCAATTTT  
CTCCTCAATCTTCTTCCAACAAAGCTCCAAGGTGTTTAAGAAGTGGGAAGAAGATAATGGATTGGGCTCAAAA  
TGCATCTTCAGCTGCTGGGACTGGTGAAGCGGTGGCAATGGATCGGTTATCAATGATACGTACGTGTCAACT  
ACAGTGGATGATTCAAAGCAGAACTTGAATCAAGTAATCAATTCCATTGAGAAAAGTCTGGGTATCCTCCATCA  
GCTAAATCTCACCGTTTCTAACTTCAATGCCGCCTATCAGCTACCTCTTTACAACGCCTTAATTCTCTAGTTTTG  
GAGCTAGATAACATGGTTAAATTATCAGAGAAATGTCCCATCCAGGTCCCTATGGAGGTTCTTAATTTGATTGA  
TGATGGGAAGAATCCAGATGAATTCACGAGGGATGTCTTAAATAGTTGCATTGCAAAAAATCAGAGTACAAA  
AGGCAAAACCGATGCGTTCAAGGGTTTACGGAAGCATCTTTTGGAGGAACTCGAACAAACATTTCTGATGAA  
GTTGAGTCTTATAGAGAAATTCGTGCTGCTTCTGCTGCCGAAGCAAAAAGGATAGCGCAAGCACAAAGTATGT  
TACCAAATGGGGACATGAAGGTTAAGATGGAGGTTTAAATGCCTTCTGCGATAATTATCAGGGAGTTGGTTCT  
TATTTTATACTCAATTAAGTCGACATTGAATTTTCTCACTCAAATAGACGAGGTGGCTGTGTCTTGGTTTCTCT  
ACTCAAGACTGTTTGGGAGGTAACGTTGAATTTGACGATGGCTTATGAATCAAGACTGCAAAAGCCATACTGG  
ATGAAACATTAAGTGAACAACTATCGTATTCGTATTCATTGGGCCAATCAAGACAGAAGAATCACACAATCCT  
CAAACGTTGAACTCTGGATTTTATTGGCAGTATCCAACCCCATTCATTGTGTCTGATTCAAGCTTTATTTTACTTT  
CTGCTCATTAGTAAATGAATCTTTATGCAAAGCTGGATTCTCACTTCTCTGTTAATAAGTATTGTAAATTCGTAT  
ACTAATTCGTTGTCACATCTAGATAAACTCACTTTTTTCACTAAAAGATAAATGTTGAACATTTACAGCAGGAG  
GAACCTTGACTCAGTTGGCTGTCCTCTCAATGATGTATTTGAATGGGAAGTTTGGTGTGGCTTTTGTTGAAA

>trans\_c\_906 AB353300|Lotus japonicus ACTK mRNA for ACT-domain-containing protein kinase,  
complete cds

GAAATTAATCCTAGACATTTGAAGTTTGAGCATAAAGTTGCATCTGGTTCATATGGGGATCTGTATAAAGGTA  
CATACTGCAGTCAGGAAGTGGCTATTAAAGTTCTCAAACTGAACGTGTAAATACTGATATGCAAAGTGAGTT  
TGCCCAAGGAGGTATATATTATGAGAAAAAGTAAGGCACAAAAATGTCGTACAGTTTATAGGTGCATGTACTAA  
GCCCCAAGCTTGTGCATTGTAACAGAATTTATGTCTGGTGGTAGTGTCTATGACTATCTACATAAACAAAAGG  
GAACTTTTAGGCTTCCATCTTTGCTTAAGGTAGCCATTGATGTCTCCAAGGGAATGAACTATTTGCACCAAAAT  
AATATAATTCACAGAGATCTAAAAGCTGCCAATCTTCTGATGGATGAAAATGAAGTTGTCAAGGTTGCCGATT  
TCGGTGTGGCCAGAGTAAAAGCTCAATCAGGAGTTATGACCGCAGAACTGGGACATATCGGTGGATGGCTC  
CTGAGGTTATTGAACATAAACCTATGATCACAAGGCTGATGTTTTAGTTTTGGAATTGTCTGTGGGAGCTG  
CTAACCGGAAAGCTACCTTATGAATTCCTAACACCATTACAAGCCGCAGTTGGAGTAGTACAAAAGGGTTTAC  
GGCTACTATTCTAAGCACACTAATCCCAAGCTAGCCGACTTGCTAGAAAAATGTTGGCAGCAAGACCCATC  
TTGCAGGCCCCGACTTTTGTGAAATTATCGATATATTGTTGCAGATAACTAAGAAGTTGCTGAAGAGGGTGAG



>trans\_c\_907 XM\_002886264|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata secretory carrier membrane protein family protein, mRNA

>trans\_c\_908 XM\_002329288|Populus trichocarpa acyl:coa ligase (Ptr4CL6|ACLL12), mRNA

ACTGAGACTTGTGGAGTTGTTGCGTTGGAGAATCCAGCAGTTGGCAAACGAAATTCTGGTTCAGCTGGAACA  
CTTGCCCTCTGGTGTGAGGCTAAAATAGTCAGTGTGGATACTCTAAAGCCTCTACCTCCTAATCAATATGGAGA  
GATACATGTTTCGAGGACCAAACATGATGCTCGTTATTTCAACAATCCTGAAGCCACCAAGCAAACCTATTGAT  
AAATATGGATGGGTGCATACTGGAGACCTTGGACACTTCGATGAAAACGGTCAGCTTTATGTTGTCGACCGAA  
TCAAGGAACTCATCAAGTACAAAGGTTTTCAGGTTGCACCAGCTGAGCTTGAAGCACTGCTGGTTTCTCACCC  
GGAGATACTAGATGCTGTTGTCATCCCCTACCCTGATGAAGAAGCTGGAGAAGTTCCAATTGCTTATATTGTTCT  
GATCTGCCAATAGTTCTTTGACTGAAGAGGACATCCTTAAATTCATTGCTGATCAGGTTTCTCCTTACAAAAGG  
TTAAGAAGAGTGACATTCATCAGCAATGTCCCCAAGTCTGTTTCTGGTAAAATTCTGAGGAGAGAACTCATTG  
AGAAAGTAAGAGCTAAAATCTGAGATCTTTGTTTCCTAGTTTCATTCTGATAGTGGCCATAGAAGAGAAAGTAA  
TAAGTTAGTCTAGGCCTAATATTAACCCATTTTGATCGAATCTGAATAACTTGACCATAAAAGTGAATAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAATTTTTTCAACC  
CCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGGCCCCCATTCCCCCTAAGGGGGGGGCTAATCCCCCCCCCCCCGGGGCC  
CCTTTTTTAAACCCCGGGGGGGGGAAAACCCGGGGGTTTCCCCAATTAATCCCCTTGAAAAAACCCCCCTTTT  
CCCCGGGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTTCCCAAATTTTGCCCCCGGAAGGGGAAA  
GGGGAACCCCCCGGGAGGGGCCATTAAAGGGGGGGGGGGGGGGGGGTTACCCCAAGGGGGGCCCTAACT

TTTGCAGGGGCCAAGGGCCCGTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTCTTTCCGGCAGTTTGGCGGTTTTCCCCGGTA  
AGGCTATAAAGGGGG

>trans\_c\_909 XM\_002874520|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal  
domain-containing protein, mRNA

ATTCCTTCCATGGCTTCTTCTCCATTTCCCAATTCTCTCTCTTTCACAAGACCTTCCATTCCCCCGCTCCTGCAT  
TTCGTACATGGCGGGTCTATGCAGCACAAGCTCCCAACAACGACCGCCGACGACCTCCACCGGGTGTGACAC  
AAGAATTCATTGGCAAAACGAAGAAGAAGGATGGATTGGAGGCAAGAAAAAGGAGAGTAATGATCAAAATA  
ATGAGAGTAATAATATGTTGGGTCCAAGTTTGGCAGACTTGCTCAACAACCTCGTCTGACTCTCACTACCAGTAA  
GTTCTTAGGAGTAGGTGCAGAGGCGGAGGTAGAAGAGATAAAAAGTGCATATCGAAGATTATCAAAAGAAT  
ATCATCCCACGACGACCCCTCTCCCTCTAAAAGTTGCATCGGAGAAATTCATGAAATTAACAAGTGTACGA  
GGTACTAAGCAACGAAGAAAGCCGAAAGTTCTACGACTGGACGCTTGACACAAGAAGAGGCGAGCCGTCAAG  
CTGACAAATTGAGGATTAAGTTAGAAGATCCTTACGAACAAGAATTGCAAAATTGGCAATCTACTCCAGACAT  
GGTGGATAGGCTTGAGGAAGAAACATGGAGCTGAGTGATCAAGCCACCACTGCTCTTACTTTGGATATCTTT  
ATCATTCTCTTTGCTATAGCTTGCAATTGTTTATGTCTTGATTTTTAAAGAACCATATTATTGATATATTACATACA  
TATACATTACCAAATTAATGTAAAGGTCAGAATGGCTAAAAAATATCTACAAAATATAGCAAAATTTTCATAT  
TCTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTAAAAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCC  
CGCCCCCCTTTCCCCCAAAGGAGTTAAAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACCCCCGGGGGG  
GGAAACCCCCGGGGTTCCCAATTTAACCCTTGACCCCCCCCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAA  
AAGGCCCCCCCCCTTCCCCCCCCCAAAATTTCCCCCGAAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGTACCCCC  
TTTAAACGGGGGGGG

>trans\_c\_910 GU732449|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D25)  
mRNA, complete cds

CCCCCGGGGTGGGGGGGAATATAAAATTTTTGGGGGGGCGGGGGGCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTGGGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTTTTTCACAATCATATTCATAATATCTTCCTGATCGTAATATTTTCGTATTTAAGTTATTTTCACAAAC  
CCAAAATTAGGGGAAAAAAGTGGGGACCTAATTTATGATAATCCCAGCCGATCTTCGCTTAGGGA  
AAAAAATTCAGGCGGATTCTGGTGGGGGAAAGTTGAGATCCAAATCCAGGCGGCCGCCGCTTCTCCTCGT  
GGCTTGAGGTCTTGACCGTTCATGTCCACAACGAGGAGGAATCGGAGTCGCTCTGAACACCGCTGCCGGCG  
AAATCGCGTCGAAATCACTACCGCTCCACGAATACGGTCGAAGTGTAGCCGTTGGTTCGGATGACTGTTGA  
TCATTCCAGTACGTAGAGCCGCATCGAAATACAGAACGTGATTGAAGGCGGTATGCCGCGGGTAAAACTT  
CTCCGATCATGGGAATTTGGTAACGCTGAAATGGGAACTGATGGGTCCAGCGGTCTGAGTCCGCCAATAC  
CGTGACCTAGATTGAGATCCAAAGGGGAGGAATCAACCATCAGAGCTTGCTCCCGGCTAGAGGACTCAACCG  
TGCTACTCTGACTCGGGCTCTGATTATTGTTGATGTTGTTAATCTTATTGTTAAGGTAAAGAAGCTTATCGTCGG  
AGGGCAAAGGGAAATTGGTCTTGGCCTTAACGCCGCGAACTCTCTAGCGGCGTTGTCGTAGGCTCGAGCCG  
CCTCCTCCGCCGTATCAAAGGTTCCAAGCCAAACACGGCTTTTCTTGCTGGGATCTCTGATCTCAGCGGCATAT  
CTCCCCATGGCCGCTTCTCACTCCTCTAAAATGCACTTCCTTCACGTTACCGACGTTAGGCTTGACGGCAACT  
GCCTTCTCCCTCGGTGCCATTAATCCCGATAATCCAGATCAAAGCAAATCAAATCACAAGAAATGAAAAAGA  
GGACGATCTGCGTGTCCGTTGGGTTTCTCCACCTCGAGAAAACAATTCGGTTGTGTTATCAATTTCTTTTCT  
TCTGGGTAATTGGGTGAGAGAGAGGGGAGAGAAGGGTGGGAGGGGAAAAGGGGGCAAATGGGTGAGAT  
GC

>trans\_c\_911 BT014700|Arabidopsis thaliana At1g48170.1 mRNA sequence

AGATACTTCCCCAAAATATTTTGCTGTCTTTCATCTGATGTAAACGCAAGCGACCAAATTGATGAAAGCAGGA  
TGCCGTTCTTTCATTTAGTTCAAATGTTGGGCTAAAGTTTGGTGTTTAATGTTAAAAAAGAGGGGAAAAACCT  
CATGAATTGTCCCTTTTTCTTAGTATTTAAATTTGTACATTTTCAAATTATATTTTAATCTTTTATAAAACATTCA  
CTCTGAACCCAGCTTCTCACTGTTCTCGTCGGGTTCTCATCTCAAGCCTCACCGTCACTCCTTTTCTGGCAAC  
GACGCCAGCCATTCGTCGTTCAATTGGGTTCTGTGTTCTGCCAGTTTAGGGGGTTTCGAGAAGAAGAAGGTTG  
ATAAAAATGTTACATGAAGGTCAAATCTCAAAGAAGAACAGCCACTTGCGAGTCCATCAAGTAGCAATAGCA  
ATAACAACCTTGATGGTGGTGGTGGTTCGGGTTACTTGCTTCAGTGAAGCCATAAATGATGTTCCCATCCATTTT  
CAGATCATATGTCTCTCAAACAGATATATATATGGATTGGTTGCAATTCTGCAAATTTGGAAATTTGTATGC  
AGCTGCCCCCACACGGCCGAACAATACAGTGAGTGTTACTTCCCTACTCGGGGGTTCTCTGATAATACAGGA  
TCTAGCATGGCACGTCGGCTAGTGTTAAAAACCGGTCTAAATATCATCTTGGCTAGCAATATCCGAAAAACA  
GCCCCATGATCGAGGTAGCTGCTGAAAAGGTATTAGTGCAAAGCTGGTCACTTTAGGGTACATAAGGCCTA  
AATCAGAAGGTCCATCTAGATAATTGGTACTCATGATTAGTCTTCTTACAAGATCCAGAGAAGCATTTCCTTAC  
TCTGGTTGCTGGCTGCTTTCTTCTTGGCAACCTTGTAAGTAACTGAACTTCAGGCTTGAATGCTAGGACTTTGGAGG  
ACGATATATCCGAACATACCGCCTATCAAGGCACTCGATGGGGTTCTATTTTACTTCGATCTTGCTTAGATATT  
GATTAAGAACATTATCCATTTTTTTGTTATAATATTGGATAAATGGATATGGTGTAATACGTTGTAATTTGTTT  
AATATCCATTAGCAGATTGTTTATCTCTTCCCTGTTATCATCTTGTTTGGTTGTCCATTTTCATTAGCTTCGTTTT  
CAAGAATGAACTAATATTTATTTGATTCAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_912 AY054680|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g51400; MFG13.11) mRNA,  
complete cds

TTTCTCCATTCTTTCTTCTAGTCAGGGCAAAGAAATTTTTGGATCGGTTGACTCTTCTCAACTCCACTAGTCTT  
GGGGAGGTAAATCAGATCTTCGACAACTAAGCGAACCATTTTAGCTGAAGATTTGTTGCGCAAGTTCATTTTCT  
TGCTGGGATGGGTGATGGGGCTGCGCCTTCTCGGTATGTGAAATTGAAGAAAGATCAAGCGCCTTTGGAAGA  
TATCAAACCAGGGGAGCTTAACCAGCCCATGAAGTTCCTCAGCTAAATGTAAGAAAGTGTAACGAGTGTGG  
ACAGCCACTACCTGAAAGCTTTGAGCCTCCAGCGGATGAACCTTGACAACCTGGGATTTTTGGCTGTGCTGAA  
GATCCACAAAGTTGCTGGACTGGGCTGTTTTGTCCATGTGTTTTGTTGGCCGCAATGTCGAAAGCTTGAGAG  
ACGATGATATGGATTGGACGAGGCCATGTGTTTGTATGCTATATTTGTTGAAGGTGGCATTGCCTTGCGCAC  
AGCAACTGCAGCGTTCCATTGCATTGATCCAAACACATCGTTTCTCATTTGTGAGGGATTATTGTTTACCTGGT  
GGATGTGTGGCATTACACTGGACTCGTCCGCAATCTTTCGAGAAGAAGTATCATCTTAAGAACTCCCCATGT  
GATCCTTGATGACACATTGCTGCCTGCATTGGTGTGCTTTATGCCAAGAACACCGGGAGATGAAGGGACGTC  
TAGCCGATAACTTTGCGGTGCCAATGACAATAGTTAACCCCCCACCAGTTCAAGAAATGAAGTCAGAAAATGA  
TGATGAAGGCACAACATCGTCTTGAACATTGGGAATGGGCAGACCAATCTGGAAATGCAGGCTTTGTAGAA  
CCCATCATAGATACAATCACAACCACCACAAGCATACATTAGATAGTTTCAATGAGACTCGGACCATCCCCCAA  
GAGTGAATGAACTCAGCACAGTCTTGAATCATTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAATTTCTTAATATTTGAT  
TTTTTTTTTCTTGGGCATGAATTATATACAATTTTATGATGGAGATTGGGAAATTATGGGTGGTCATTGCTCGT  
CNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTATTCAATACCCCAACCCCAAGGGG  
GGGCC

>trans\_c\_913 NM\_001049479|Oryza sativa Japonica Group Os01g0338600 (Os01g0338600)  
mRNA, complete cds

ATAAGAAAAATTAAAAAAGAAAGTATGAAGATAGAAAACAGAAGAGAAAATAAGAAGGCTGCAAAGCGCAA  
CAACTTTTCTTCAGCTTAAACTAGAAAGAGAGAGAGAGAGGTCCAGAGGATGACTTCTTCTTCTTCTTTATCT

CTCTGCCTCTTCTCCCTTTTCTTCTTCTTCTTCTCTCTCTTAGATTCATCAACATTTCCAATCCCTTCTTCT  
CCCCAAGCCCTAATTTCCCACTTCTTGTTTCTTCCAGGCGCCGCTCTTCTCTCAATACATCTCTGTGGATTGAG  
GGCATATAAGAGGAGATACAGATGGGGAAAAGTAGTGTGCCTCAAAAGAAGAATACAACGCGGATGTTTGA  
TTTGATCTAATGATGAGACAGGCACTCAAATTC AACCCAAGCCCAATCGATTGTGGAAGGATCAGGTTGAG  
TTATGGTTTCTGAATTC AAACAGTTCCTGATGTTGATTATCTACAGGAGTTACTGGCCATTCAACAACAAGGT  
CCTAGAGCCATTGGCTTCTTTGGAACGCGAAATATGGGTTTCTTGCATCAAGAACTTATTGAGATTCTTAGCTA  
TGCAATGGTTATAACGAAGAACCACATCTATACTTCAGGAGCATCTGGAACCAATGCAGCAGTTATCAGAGGT  
GCATTGAGGGCTGAAAAACCAGAACTGCTTACTGTCATTTTGCCACAAAAGTTTGAGAAAACAACCTCCTGAAA  
GCCAGGAATTGTTATCCAAAGTTAAGAATGTGATAGAGAAGCCCCACAATGATCATTTATCTTTAATAGAAGC  
TAGCAGGTTGTGAATATGGACATCATTTGCGACGTGCAGCAGGTCAATTTGCTTTGCATTTATGATTAGGTTG  
CTCATGGAAACATGTCAAGAGGCCAAAAAATCTCCGAAAATTGTCACGCTTTTTTATCTCGACTAAGAAGTA  
GGTGAAAAATCTGTAAATACATTATTTAACCGATATTACATATTTGCGCTAATTTTGCTTGTAAGTTGTTATCG  
TTGATGCTGCCTGCTGGTGCTCAAAGTTTTCCAATCATTGTGACAGTGGAAAAGAGGCCAATTTGCCTTTCCAA  
AGAGATTTTTATTTTTATGTTTGATAGCTTTTTTTCTTTTTCTTTTGAAATAAAAAACGACAAAGGGGGCAAC  
CAACCTTCCCTTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_914 NM\_001049240|Oryza sativa Japonica Group Os01g0271000 (Os01g0271000)  
mRNA, complete cds

AATCGAAACGGATCCGAAGTTTTGATTAACGACTCGGCTGAAGCCATCGCCGCTATCTATTTATCGGACAA  
AGTTGCGCACTTTCTGCTTCGCTCTCGAATCTCGACTTTGAGAGAGTTTGAATTTACTTGAGCTACTGTTTCCA  
TCTATTTACGACACGGCGGAAAAGGGTTTCTCTTTACCGGGGATCAGTGGTTTACTGGCATTGCGGTGTAAGG  
GTGTTGCCATTTAATTCAAGTCTATAGTCAGATATATACTTGACGATGGAAGTAGCTGAGGAATCCGAAGAAA  
CGCCATCAACTAGTACTAAAAAATTGCCCGGAACGGTGAAGTGGGGTACGGCAACAATATTGCAGTGTTTGC  
AGGCATGCTTTATGGAGGAAGCAAAGAAGCTGCCGCTTCGGTGAGTAAGGATGCAGAAGTTACATTGAAGCT  
TGGTAGCACACCTGACAAGCGTGAACAATATAGGTTAATCAGAGATGCAATGGAGAAAAGATTTATCCGAGT  
CACACGAGGCTCAATAGTTGGTGGCGTGCGCCTTGGGATGTTTACAGCTGCATTTTATGGTCTACAAAATCTG  
CTAGCTGAGAAGCGTGGTGACATGATGTCTTCAATGTTGCCGACAGCTGGTTCTGCCACAGCTGCTACGTTTG  
GTCTAATATTGCCAGGATCGCTCAAGTGGCGTGCTAGGAATGTAGCAATGGGATCTGCTCCTAGGTGCAGCATT  
TTGCTTTCCTCTTGTTGGATTCTCTAAAGCTTG TAGAGAAAGCAAATGAAGGTAATGAAGCGCTTGGTTATA  
CTAATACAGTTCAAAAGGGAAAATCAAAGAGTGGTGTGCGTGCTGCTATTGAGAGATTGAAGAAAATATGA  
ATAAGTAGATTCAATAATCGCTTCTCCATTTTCCAGCATAGCAAGATACCACGAATGAAGTCAAAATGGAGAA  
ATATACAGACCATTTCCAACCAGGATTGTTGGCTTTTTTTGCTTGCATTCTACCATTTTTACTGGATTTTCTGGT  
GGTTTTGAAGATAATAAGCTGGCCATCCTTGAGGACTACTACCATTTTAGGAAGAAAACGTGTTTTAATCTTAT  
TCGTTTCATAGTCAGATGTGAGTCGATTCTTCTTCAAACATTCCCTATACTTATGTTTAGATAGTGACTTTGAT  
CGCTTATTATATGGATGTTTAAGATGAATCAAATGAATAAACTGCCGTCTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_915 NM\_001059243|Oryza sativa Japonica Group Os04g0405100 (Os04g0405100)  
mRNA, complete cds

GCTTTGTTAGATCCGGCTCCAAGGTTGAGCTTCTTGCGAACTAACGGTTGCCGGACGGTCGATAGAGGAGA  
AGGAAGAGGAACCAAGAAGAGATAAAGGGTCCATCCAGTTCACTTGAGTTATCATAGATGGAGCAGGGGAA  
ACAAGGAGTGGTAGTTAAATTGACTCCTCCGCAGAACCCCTTGAGCAGATTCAGGCTCGTTTCAAGGAACTA  
GAAAATGGGTTCAGGACCTGGTTGGCCAAGCAATCTCTCCAGTTGAGGCCGCTGTTGTCACCGCCACCAGCG  
CTGCGCAGGGCGCTGCTATTGGTGGCTTTATGGGCACTCTACCAACGACGTTTCTTCTCTCTCCCACTCCTC

AAGCCGGCCTTAACCCTCAAGCCATGGCTTCTTTCAAGCAGGCTCAGGCTCTTGCTGGAGGTCCCCTAGTACA  
AGCTCGCAACTTTGCCGTCATGACAGGTGTTAATGCTGGCATATCTTCTGTTATGAAGAGACTAAGAGGCAAG  
GAGGATGTCCAGTCAAGTATGGTGGCTGCTTTTGGGTCTGGGGCGATGTTTTCTTTGGTGAGTGGAATGGGA  
GGTCCAAATCAGGCGGCAAATGCAGTTACATCTGGTCTTTTTTTTGCCTCGTTCAAGGTGGACTGTTCAAGTT  
AGGGGAAAAGTTTTCTCAACCACCTGTGGAAGATGTGTACTATGCTAAAACAAGAAGCATGTTGAATAACCTT  
GGACTACAAAGCTATGAGAAGAATTTCAAGAAAGGCTTATTGACCGATACCACTTTGCCTCTGCTCACTGATA  
GTGCGCTTAGAGATGTCAAAATCCCCCAGGACCAAGGCTACTCATTCTGGATCACATTCAGAGGAACCCAGA  
GCTAAGAGACAGATGAAGCTGATTTGAGGGGAAGATCTTGCCTGTTCTTTTGCACCCAAGTGTCAGTACTC  
TTTCTAGTTGAACTTGAGTTGGTAAGGGAATAGTATTAGGTCAACTTAATTAGGAAGAATGTGTAATAAATAG  
GCCTGTTGTACCTGTGAGAAGTTGATTTGTCAATTCGACTAAGTTCGATTTTGAATGCACCTTTTCGTT  
TATATTGGATGACAGAACCATGCTACTGTAGGGTTGGTGGAAGTTTTTTTTCTTTTGTCTTTCTTTCTCTCT  
TTTTGAGATAATGTATCTTGAATGGTTAATCTTCAAATTTGCTGAACTTTTTCTATAAATGCATGTGTGGAGAA  
GACCTT

>trans\_c\_916 BT010366|Arabidopsis thaliana At4g12700 mRNA, complete cds

AGTCAGGGGAAGTACCTGCTTTATGAGATGGGTGGAGATAAATGCAAAAGCATGAATCATTATTTGTGGAGC  
TTCTTGTTGTTTTAGGTGAAGCTCAGTATTTGAATCGAACATTAGTTATGGATTTGAAAATTTGTCTGTCATCA  
ATATATACTTCATCAAATCAAGATGAGGAGGGAAAAGATTTTAGGTTTTATTTTGATTTGAGCATCTGAAAGA  
GTCCGCATCTATCTTGACCAGGGTCAGTTTTGGTCTGATTGGGAGAAATGGCAAAAGAAAGATCGATTAGG  
TCTTCACCTTGTTGAGGACTTTGCGGTACACCTATGAACTTGACAGATGTGAAGGATGCTTTGATATTGAGAA  
AGTTGCGATCTGCAGAGCCTGATAATTATTGGTATCGGGTCTGTGAAGGAGAAACGGAATCTGTAGTTAAGC  
GACCGTGGCATTGATTTGGAATCAAGACGTCTGATGGATATAGTATCTTCAATTGCATCAAGATTGAATTG  
GGATTATGACTCAGTCCACATAGTAAGAGGCGAGAAAGCAAAGAACAAGGAGCTCTGGCCAAATCTTGCTGC  
TGATACTTCACCTGATACTCTTCTGTCGACATTGCAAGACAAGATTGAGGATGGAAGGAACCTTTACATTGCTA  
CAAATGAACCAAACACAGACTACTTCGATCCCTGAAAGACAAATACTCTACGCATTTTCTCAATGAATACAAG  
GATCTATGGGACAAAGGCAGTGAATGGTACACAGAAACAATGAATCTTAACAATGGTGTACCAGTTGAATTT  
GATGGATATATGAGAGTATCAGTAGACACAGAGGTGTTCTTAAGAGGGAAGAAACAACCTAGAAACGTTCAAC  
GATCTTACAAACGATTGCAAGGATGGCATCAATACCTGCAATGTTGCAACCAATTAGCATCAAACCTGAAAAC  
CGTTATATTTCTTGAAATGAGCTATAAAGCGGAGGCCTTGTTTCTGTTGCTTTGAGAATCAATTGATAGATTA  
TGAAATGACTTACCTTAATATTGAGTTTTGACTTGCAATAGTAACCTAACCTTAAGTTGGATCTTTCTAATTTTTA  
AGTTATTGAGGTTGCGTTTGCTGAGTATAATGTATTATATGTTTCAAATTTCCATTGATATTTAGAGACTGCTC  
TGAGAATTCATCTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_917 NM\_117409|Arabidopsis thaliana NIG (NSP (NUCLEAR SHUTTLE PROTEIN)-  
INTERACTING GTPASE); GTP binding / GTPase (NIG) mRNA, complete cds

TAACTCCCAAGGACCTCTAAGTAATCCAGCAGCTCATGCACCTCAAGATTTTTCAACTCCTGCACAGGCAATAC  
CTTCTGGTGTACCACAACTTCTGCACCTGAAGTAAAGCCTAGCGGGCGAAAAGAGTTACCAGCCGATCTTTT  
TACTCTTAATTACTCATCTACCCTGCACCAAGTTCCAGGTGGCATACTGTTCCGCCACGCCCCATGGTTTATGC  
AATGCCGTATAATTCTGCAATGCCCATGCCAAGTTTTCCACAATCTTCTACATCCACAAATCCATTCGATCTCAG  
TAGTGAACAACCGCAATTTCTTCCATGGCACCATTGCAAAATGCATTACCAAGTGGGCAACCTGCACCAATT  
TAATACACAATCCCGGCTACGGTAATCCCACATCGACATGGATGCCACACCAGCCACCTTCTAATATACCGCAG  
TTACCTCCCCAGGGGCCATATCAACCCACATTGCCTTCGAGACCACCTTACATGGGACAGCAAGTAGCCAGCA  
ACGTACAACCTTACAGGCATCCTGGACTTGGGAACTATGGTAACGAGGGAGCCACTAGTGTGTACACCGATAT

GAGCCAGCAGACAGCTGGTCGATTCACGGCACCCGCTACTCCAAACCCTTCTCGTCCACCGGAGGTAACCCA  
TTTGGCTAGTGAGATAATGGAATAGCCCTGGCATTATTGTCTTGTCTTATTGCTCACCATCCCAAGTCCCTCGG  
TGAAAAAGTTTTGGTATCCGTTGCAATTCTCTTATTATACTATGTTTATCAGTGAGATAAAGAGTCAAAAATTA  
TCTTATTGGCACTGTACATTTTGTGGATGTCCGAGGGACGAAAAATCTTAAGAGAAAGAGTGAGAGTAAAAA  
AAATATTAGGTTAAAGTGGAGGCGTAGATTATTTCTCATTTCTCTAGGAGGCTACGGTTGGTGAATTTAGGT  
GTTAGTAAGAGTTTCCATTGGGTTATTTGTGCGTTTTATTTTTACCTTTTCCCATCAAGTTGTATAATTTTTCTT  
TTTGTGTGTGTATTTTAATTTTTTTTTCTTTTGGTGTTAATTATATGATTTGTTTATTATTGTGAGTTATGATTA  
TATTGTTTGGAGAAAAAGTTGTAGCAAACAGATCAAATTGCTGCAGGCTTGCAGCTACGGTTTGTTCGAAG  
ATGTTGAAAAATCATGTATGATCTCTCTCTTACTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_918 AY104840|Zea mays PCO100726 mRNA sequence

ATTGAAAGTTATCCAAAGCAAAGTTGAAACTCAAATGCTTTTGGATTGAATTGAAAATACTCTCTAACACTTCC  
ATTTTCGTTGGAATCTCATTTCCATACCTTCTTCCAAAGTTTGTGCAATTTTTGAGAAAAGCTCGTCGTATTGCC  
AATGGTGCGGACGGCTTCGAATCGACGCAAGCAGTTTCATGTGTAAATTTGGAGTACCCAAAAAATCTGGC  
GTTAACAGGCTCATAAAGATCGACAACCGAAAGTTTGAAACGTCTTCTTCATTCAATCCGACTTCATACTTCATT  
CCAAAGGAAAAAGAAAGCATTCTGATTCTTTCTTTCATCCATCCGTTATCTTCTTTTGGGTCTTCCTACTTTC  
TTGCCGGAATACTTACTTATACTATGGAGGGTACAATTATTAGAAGGGTATTCCGTCAGACAACAGTTGTCT  
CTTCAATGCTGTTGGGTATGTTATGGACCATGATAAACACAAGGCTACTGAGCTAAGACAGGTTATAGCTGCA  
ACCGTAGCTAGTGATCCGACAAGGTATTCTGAAGCATTCTTGGAAAACCAAATGAGGAGTACTGTTCTTGGA  
TTCTTGATTGAGAGAAGTGGGGAGGTGCAATTGAGCTTCTATACTATCTGAGTATTATGGACGTGAAATAGC  
AGCATATGATATCCAGACAGCAGATGTGATTTGTACGGTCAGGAAAAGAGGTATTCAGAAAGGGTCTGCT  
GATATACGACGGAAGTCCACTATGATGCTTTAGTTATGTCTCCAGCTGAGGATGCTCCAGAGGAATTTGATCAG  
ACCATATTTTCTGTGAATGGAGACAGGACGATTGGGCCGATTGAGGAGCAAGCTCTTCATTTTGTTAAAGATC  
AACAAAGGAAAAGGAGATTCACCGACACCGCCAACTTTACACTGCGCTGTGGGGTTTGCCAAATTGGAGTTG  
TTGGCCAAGCGGAAGCTGTAGAACACGCAAAAGCCACTGGCCATGTCAACTTTCAAGAGTATAGATGACATG  
AAGAATGTTGGACAAAATAACTGATTTGATCGGTTTCAGCTTTATCGACTCACTTCTCCAGCTTGTTGAATTGT  
GTGGCATTCTGATTGTTATATGACCATTTCAAATCTTGATCGCACAGGAAAGTGTAAATTTACTGACTAGAA  
TGTTGTGTAATTGATTAAATCATCATAGAATAAGCTGTGGCATTCTGGCTGTTTTCTCAAGCGACTGATTTT

>trans\_c\_919 AY143866|Arabidopsis thaliana At1g25420/F2J7\_16 mRNA, complete cds

AAGGAAACGGAAGAACTTTTTATAATCGATCGAATCAGCTCTGCAAATAACGCGGCTCGGGGAACCGAAGG  
CTCACACCATTCAAATAATTCTTCCAAGGAAGACTGTTCCGACCTTAATATTTAAAGGGCAAAAAGAAAAGAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACAGTACACACACATTATCTTCTTCTTAAATCTTCAATGTCACTCCTCAATCAACTCTT  
TAACAGAGGTGTCTTTGCCGGAATGCAAACTTGCTTGAGCTTAGCAATCTCGCGGATCAAGTTGCTGCAG  
AATAAGAGGGATCTGCAACTGAAGCTTATGCGAAAGGAGATTGCACAATTCTTGACAGACAGGGCAGGAACAA  
ATAGCTCGAATTCGGGTGGAGCATGTAATACGGGAACAAAACATATGGGATGCATATGAAATTTTAGAGCTG  
TTTTGTGAGTTTGTCTTGACGTGTCCAATCATCGAAAGCCAGAGAGAATGTCCCGTTGAACTGCGAGAGG  
CTATTGCAAGCATAATATTTGCTGCTCCTAGATGTTCCGACCTTCCAGATTTGCTTCAGCTGAAGAATTTGTTG  
CAGTGAAATATGGGAAAGAATTTGTCTCTGCTATTTAGAGCTTGTCTGATTCTGGAGTTAATCGATCAATT  
ATTGAAAAGCTTTCAGTCAGTGCTCCTCCTGGGGAAGTAAAGCTCAAGGTCATGAAGGAGATTGCTAAACAAC  
ACGGAAGTCAACTGGGATTCTTCGAGCACAGTATCTGAATTTAGTAAAACCCACGAAGATCTGCTGGGCGGACC  
CAAGGGAGTACAAGGAGCAGCAGTCTCTCAAACCTCTCAACACAGCTTCTTGAATCCTTCCATTTCTTATGGGT  
CGGCACTTCTTGCTGCATCTCCCATGGGAAAGAAAGACCCGAACACCACCATGCAGTCGGCCCAATTAAGTAT  
AATACGAATGAAATCAAACCAGAACTAAAAGTTTGTGTCAAACCAGAAGTTGCTGCTAAATTAGATACAA

GACCACCACCATCTGACGTATTAGAGAAAGCCAAAGCTGCCATTGCTTCAGCTGAGCGTGCCACTGCAGCAGC  
CTGAGTAGCTGCAGAGCTAGCAAATGTCAACCTTGAACAATGAAGTTGAAGGAGGACAACTTCGGAGTG  
CTGAAGACAAAAGAAATGTAATTTATACCTTTGTTTGATACCGGACTCGTGCATAAAGTCTGTTTGATGTTAGT  
TGAGTCT

>trans\_c\_920 AF367319|Arabidopsis thaliana AT5g59960/mmn10\_180 mRNA, complete cds

AAATCAATCAATCATTATTCATTCCCCTTCTCTTTCTCTTACATTTTTCAACTTTCTTTCTCTGAAACTCCTTAG  
ATCTTCTCATTCTCAATGCATTCTTCCCATTCTTCTTCTTTCTTGTGCTGAACCGTCCCCACTCTTCTACAT  
AACCTCACTCTTCTCCTCTGCCATTGATCCATATTAGTTAGGGTTAAACCCCTTCTCCATCATCGTAATGTCTCG  
GGCGTTGACGCCTCGGAGTTCTGCTTATCTTAGCGCTTTGTCTCAGCAGATTGAGAAGAAGCTTCAGCGGGCA  
TTAGCTTCTTCATCACAGAGGCGAGATGTACTGCAAGAATTATTTGCTGATATAGCGCTAGAAGTCGATGACC  
GAGCCAAAGAAATAATTCTCAGCACGGAGGAAGATGCGATTGCACCTGTGGAGCATGGAATGAACGATCCAT  
TATGCTTTTACGATGTTCTTGCTGATTACTATGTTCAAGTGCCAGAAAGCGGGAAACCAATCCTCGATTTGATT  
GTCAAAGTGTGGAGCCAATCATTTACATGTCATATTTTACCCTCTTATTCCACAAATGGCTCTTTGAAATAGAA  
ATTGAAAATTCTGATGAAGTTCACCTGCGTAATTCATCAGCTCTTGTTCAAGGTGCCGCAATATCTTCTGGCTT  
GATATTCAAGCAAACACTACCAGATTTAAGTCTCTCTTTCATTATCTTCTTGAAGAAGTTGCATTTCAACCCGCC  
AGATTGAACAAAATCCCATACAGCAATTTCTCCGTTCTCAATGCTATACTGGTTGGTGGTCCAGCTGATTT  
GTTTGTGATTGAACTTACTGATCAGATTCAAAAGTTGAAGGTGGAACCTGTACTGCTGCATTATCTTTCACGCC  
TGATTGTTCTCCAAGGTATGGAAGTCAAGATGACCACAAGTACAAGGCTAAAACTGTTTGTACAGCTTTACC  
TCTCCCGGTGGTCCCATGTACCCAACAGAGCTGTTTCGACATGCTGCGTGCGGATGCTCTGGATTTGCTGTTCCC  
AGTTGGACGATATCCTAGGCATCTTATAAGCCTATTTTTCAGATTACTGTATCCATGGTACTGGCCCTCATCTTG  
TTGGAAGTTCGTAATATCATGTATAAGGGCAGTATTTCTTTCCTTGTTTCGGCTCATCTTTTCGAGATTTGAGAA  
TCCTAAACAGCACAAAGTCTTACTAGACAAAAA

>trans\_c\_921 NM\_116386|Arabidopsis thaliana MEE49 (maternal effect embryo arrest 49)  
(MEE49) mRNA, complete cds

CAGGGAGGTTGATGAGACTGTTTGCAAACCTGATGATGAAGAGCTATTTGCTGGAAATGATGCTGATGAATTT  
AGTTCCATCATAAAGCGCGACATTTTGCCTAAAGTTCTAATTACTACTTGTGCTTTTAATTCTACCATTGGTCCA  
GCTTTTATATCAGAGTTGCTTTGCGGTGATACCAAATGCACATTATTACAAGAGAGGGGACTAACGATTTGAAGA  
AGATTATAGAATATGCAAATGCCAAGGACTTCATTCTTTGATGGTTGTCCATACAAGTAGGAGAAAATTGGA  
TGGACTTTTAATTATTGGATTACCTGAGGGACCTACTGCCCATTTCAAGATTTCAAATGTTGTCTTACGTAAGG  
ACATTAAGAATCATGGAAATCCAACGGGTCATCAGCCAGAACTTGATTGACCAACTTCACAACACGCCTTGG  
TCTTCGTGTTGGAAGATTAATACAATCACTATTCCCTCAAGATCCCAATTTTCGCGGTGCGCGGGTTGGAAGT  
TTCATAAGCCAACGAGATTTTATATTTTTCGGCATCACCGATACATTTTGAAGCAAGGAAAATAAAAAAGA  
GGCTGACTCAAAAAAGAAGTCCAAGGATACCAAGGGTGAGAAAGTTCCTCAGCAGAAAGTGATTGCTCGTCT  
TCAGGAATGTGGTCTCGGTTACAATGAAATTGATCAGTTTGAGCATGGAACCTTCGATTCGAAAGGCGGG  
GAATATGAATGGGTTCATAAGCCTGAAATGGATACAAGCCGAGAAAGATTTTCTTGTGACATTCTTTGGTAG  
TTCATTACTCTGGTCGTGGGGAGTTAAAAATTGTTGAGCTCTAATTTATATAATATTTTGGGTGGAATGGTGGA  
GTGCCGATCAATTTCAAATCTCCATTTAGCCTTCATGTATGTTAGAAGTTGATTTCTTTTGCATTTCAAAT  
TTTGTAGCATTTGCTGAGTTTGTTCATAGGTATCAATCAATCTAGTAGCTGGCAATTCAAAAGAGAAAGCCAT  
AATATTTATTTCTTATTTAGGGGGGTGCAAGGGTTGATTCATTAAGTATGAGAATGCAAATTTGGGATGCTA  
AACTTGAAAGATTCGAGTTGAAATATTTTACAAGTTTATAAACTTATTAATAAACTCAACTCAATTAAGT  
CCTAACATATAGTTTAATTGAATTGCGGCTTTCTTCCCTCCGAAAAA

>trans\_c\_922 NM\_001051245|Oryza sativa Japonica Group Os01g0833100 (Os01g0833100)  
mRNA, complete cds

TTGGCTTTCTTCTCCAGATCTTTGTTTCCATCCTCACAGCTTTTGGACACCTTCGTCTTCTTCTTCTCATTCTTCT  
TCCTCTCCGTCTTTTAAACCTTTGCCCCGTGTTGAACTTCCTGACCATGAGTTGCTTGCTGCCTCTGCTGTTGATA  
TTGCTTCTGTTGAAGACGAGGGCGAGTCCGATGGGCTTATGGAGAACTGACGATAGTTCTCGACTTGGATG  
AAACACTCATATGTGCATATGAAACATCTACTTTGCCTGCTATTATTTCGCAGTCAAGCAATAGAAGCTGGATTG  
AAGTCTTTTGAAGTTCGAGTGTCTATTCTTCAGACAAGGACTGTGAAGGGAAGCCTAAGGTCAACTATGTTACTG  
TCTTTGAGCGGCCCGGTTTGCACGATTTCTTAAAACATCTAGGTGGATTTGCAGATCTTGTACTCTTCACAGCT  
GGTCTTGAAGGGTATGCAAGACCTCTTGTGACAGGATAGATGAAGAAAATCGATTAGTCTTAGACTGTACA  
GGCCTTCAACGATTAGCACGGAATACCGAGATCACGTGAAGGATCTATCCTGCCTATCAAAGGATCTAAGAAG  
AATAGTCATCGTTGACAACAATCCTTTCAGTTTTTACTCCAACCTCTAAATGGAATTCCTTGCATTCCATTTTCT  
GCAGGGCAACCACACGATTACAGCTCCTAGATGTCATTCTTCCACTTCTAGAGCACCTATCGCAGCAGAACG  
ACGTCAGGCCGGTGTGTACGAAAGATTCCATATGCCTGAATGGTTTCAGAAGCATGGAATTCCAACCTACGT  
CAAATAAAGATTTGTGCAAGAGAAAAGGTACATTCTTCTTCTGACCATGTCAACAGTTGACATAGTTAGCT  
TGTTCAAAGGGCAGCACCTTCATAAGTCAGATGTTGATTCTTGAAGTTTTGTATAGCTCCACCATGTTGTACAT  
CATGGATATGATCCCAAATAGTTTCATCCCATTTGTTGAAAATTATATATAGTGTAAATTTGTAAATTGTGTA  
GGAATTCTGATTTGTAATTTATTCATGCAATGCTGTTGGATATGTTGTAGGAATTTCTCAACCTTTTACCAAT  
AAATAGTTTGAGTTTCTCCGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGACCACAAAAAACTAAAAAACTTAAAAAAACCCAAGGAGCGCC

>trans\_c\_923 NM\_117625|Arabidopsis thaliana BARS1 (BARUOL SYNTHASE 1); baruol synthase/  
catalytic (BARS1) mRNA, complete cds

AACCCACCCAAGTCCTCAACCCTACATAGATAGATAGAGAGGAATAGAGGGAGAGATTAATGAAGAGAAGG  
CGAAGACGATAACGGCTAACGGCGAATTCCTTGACATCAAATGGCGCTGCCGGCGTCAATATCACTGCCCTCC  
TTATCATCCACTTCAGGATTATACTATTCAAGGGGAAAACAACCTCTTAATAGCTGTTTCCCGTTGAATGGTGG  
TCGCCGAGCTACCCTTACATCTTCAGTGAAAGTAAAAATGGCACGGTTTATGGATTCTAATTTTCATGCCTATAG  
AGATTGAAAATCTAAAAGAGAAGATGCAAAAGGTTGTACCTGAACCCGTTAAAAATTTTCTTGGAAAGGAAG  
CAGAGAAGATACTGGTGGAGAGACTGGTTTTTATGGGGAAGGAGACACTGAAGTGGTCTCTTCTTGTCTT  
TGTTCTTAGCTCCTTTTTCAGATTTTGTAGCATCCATAGTTAGAAACCAGGAGTTACTGATTCCCATTGGTCTCTT  
TATTGGTGTCTTGTGACTGACCTTTTAAAAGAGATATCTCAAGAAGTGTGGCAACTCTGAGGAATCAAGCT  
TCAAGAAACAACCTGATGGTATCGGTTCTTCTTCACTCTCGTGAAGCTAATTGTTTATGGCTTTGCAATTCAAG  
CACAGTTGTTTTCTCTGCATGTTGCAAATGGTGGCTTAATGCAAGTTTTGTGGCTGTGGAGAAATTTACCAAA  
AGAAAGAAATCAACCGAATGAACAGAGCCCGTTCTAGGGCAAGGTACATCTTAAACATGGATGAATAAGAT  
TGTTTCAGATGTTGATATTTGCTTCTTGAAGAATTTGGTCGCATGTAAGGATGGGAGAACACAATATTATGAT  
ATGTATCGGAAACTTGTTTATCATTGGAGACAGTGGCGAGCCCCGGCTATGTATGAGTAGGTTTTCTTTTCTT  
TTGGGTTCAACAACGCATGAAGTAGTAGAGAGATTTGAACCTTTGCCTACTCGGTTGAAGGCATTTTCTTAGAC  
CAATTGAGTTATGCTCAGGTTTGCTTGTATGAGTAGGTTGTATCAAACTCTAGCTCTTAGAGGTAATGCTAGC  
TAGGTATTGTGTATCGGCTGCATAATCTGGTAATGAGCGATATTTTGGCACCGTCTTCTTTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_924 NM\_001060089|Oryza sativa Japonica Group Os04g0561700 (Os04g0561700)  
mRNA, partial cds



CAATTCTGTTGCTGATGATTGTATCAACCCCTTACAAGAAGTTATTTTCTCAAGAAACGATCAAAGAACCAT  
GCCATTTGGCTCTAACTTGTTATAGAACTTCGATATACATGTTTGGCAGATATATAAAGTATTCAAGAAATGTG  
AGTCAGACACGTTGGGTAATTGGTGAAGAGAGAATGGGAGAAGCATCTGTCGAGGAGATTCTAGGCAACAA  
TATTCTTCCCTTCTGTCGAGGTGATAGTTACAAGTTCATGCTGCCGGTAGAGAGGATCTCGATGTTCGAATGT  
TGGGTTCAAGTAGACCTTTCTTGGTTGAAATACAGAACGCACGCTTCTCCCATCTGAGATGATAATAAATGAA  
ATAAAGTCAAAGATAAATAGTCCAGAACTAAATTGGTTGGCGTAAGAAATCTGAAAGTTGTAGGCAGCGAA  
GGTTGGGCCCTGGTTCAAGAAGGAGAAGCAGAGAAGCAGAAGCAATATGCTGCACTTGTGTGGACATCTCGC  
CCACTCGAGGATGACGATTTTTTATCAATATCATCACTCAAAGACTTGAAAATTTTGCAAAGAAGTCCAATAAG  
AGTGCTTCATCGCCGAAGTCCATTAAAACGTGAAAAGATCATCCACTGGATGAAGATTGAGAAGGTTGCTAAA  
AGTTCTCAATACTATCTCCTACATTTGTGTACTCAGGCTGGAACATACATTAAAGAATTCGTCCATGGGGATCT  
TGGTCGGAATCATCCAGTATAGGATCTATTCTTAGTTGCCGAGCTGAGATTCTTCAACTTGACGTTACGGATA  
TAAAAATGGACTGCCATTTGGCCGAATAAAAGAAAGTTTGGTCTTAAGGTTCAATCATAGAAGAAGGAGAA  
GGATGAGATTCACTTTGGTGCCCTCACATGCCCTCCTCCCGTCCGTCAATTTGGTAATTTCAAATAGATTTATT  
TGATTTGATAATTTAAATTTGATTAACCTAAACTTTTCTTTCCCCATTTTCTTGGGGGAATCATTGTTGGAGGT  
CGTATTGAATTTATGAGTGCTATAAAGGGGAGGGTCAAGACGTACTTTCAAATTAAGCAATGTGGCAATGTAT  
TGTCAGTAAGGTTAGTTGGTAACTCCTTTATTTTTTTAGACTAGATTATGATATCTTTCTTTTGTAGAGAGT  
AGTTTCGCCCTCATTTTGTCTAAATTTAATTTATTGTGGTCTATCTCGTTAGGTAAGGCAAGCCCCGGTAGGG

>trans\_c\_925 NM\_001056562 | Oryza sativa Japonica Group Os03g0334000 (Os03g0334000)  
mRNA, complete cds

TTGTAAAGGAAACGGTTCTGATAATGATGGGATTTATGCTATGAAAGTGATGAGAAAAGATACTATTATAAAG  
AAGAATCATGTGGACTATATGAAGGCTGAGAGAGATATTCTCACAAAAGTTGCTCATCCTTTCATTGTTTCAGCT  
TCGCTACTCTTTCAGACCAAATCAAACTTTATTTGATTCTTGATTTCATAAATGGGGGACATCTCTTTTCCAT  
CTGTACAGGCAGGGGATCTTCAGTGAGGATCAGGCAAGAGTCTATGCAGCTGAGATCGTATCGGCTGTTTCG  
CATCTTCACAATTGTGGCATTGTGCACCGTGATCTCAAGCCCGAGAACATTCTCATGGATGCTGATGGACATGT  
AGTGCTTACTGATTTTGGACTGGCCAAGGAGATTGATGAATCAAGTCGGTCGAATTCGTTGTGTGGAACAACT  
GAATACATGGCTCCAGAAATCTTGCTTTCAGAGGCCATAACAAAGATGCTGATTGGTGGAGCGTTGGAGTCC  
CCTTGATGAAATGCTTAGTGGCCAGCCACCATTACACACGCCAATAGAAAAGAAGCTTCAAGAAAGAATAAT  
CAAAGAGAAAGTGAAGCTTCCGCCATACCTGAGCACTGAAGCTCACTCTTTGCTCAGAGGGCTGCTACAAAAG  
GAGCCGTCTAAAAGATTAGGTAGTGGACCAAAGGGAGGGGATGACATAAAAAACCATAAATGGTTTCGACCT  
GTGAACTGGAAGAAATTGGAATGTAGGGAGCTGCAACCGAAATTCAAACCGGATGTCAGTGGAATGACTG  
CACAGCAAATTTTGACCATTGTTGGACAGCAATGCCCCGGACGACTCACCAGCTCCAACCCCAACAGATGGT  
GGACACTTCCAGGGATATAGCTATGTTGCTCCTAACCTTTGGCTTTCATCATCTGGATAGAATTGCTGATCATG  
GTGTTTTCACTATATAATGGTAAATGCAACTGTACATGAGTCCTATACTGCCACTGGATTATTGCTTGTTTCACA  
ATTCACTGACTTGCAATCGTTCATATACTGTCAAATGTTTGTGTTGATTCAATGTGACTTCTTCTAGACCTCCAA  
GTTCTCTGTCTCTCCTGTGATCAAAAGTACTGTTTTTTTTTTTTTTTTTAACTTAATTTCTTTGCAAATACTCT  
TGTCAGTGTTAATGAAAGTTGATTTACAATTTGGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_926 NM\_001071491 | Oryza sativa Japonica Group Os10g0497000 (Os10g0497000)  
mRNA, complete cds

AGATCACGGCTTGCTCCGCTAGTGTTTTGACACCTACTGTGCATGGACCAAAAAAGTTCATACCAACGTAAT  
TCCATTATTATGTTCCATCTTTTTGGCCAATCAAGGAGCAAGTGACGGAATTGGACAAGGGGAGTCTGCGCCA  
TGGAATGAAAAGGTACCTCTTCTGGAAGGTGAAAAGGAAGCTGAAAAAATGATTGTTGAAGCTTATTCAGCG  
CTACTTCTAGCATTTCTTCAACTGAAAGCCAGCGCATACGAGATGCCATTGTCGATTGTCTACCAGATCACAG

CCTAGCAATTCTTGTTCCAGTTTTGGAGCGATTTGAGGCATTTCAATTTGACGTTGAACATGATTTCTCCGGAGA  
CGCATAAAGCCCTAACTGAAGTGATTGAATCATGTACAAGTTCCTGAGAATTAAAGCATGAAAACCCTGTAAA  
TTCTTCACCTTCATTAGTTGAATTGCTTATCCTTCCTTAATTGATACCATACAAATAGAGAAGCTTCAACATACA  
GAAGAAGCCATAGGGCTTATCGCTAATGTTGTTGTCTGATTGACCATTGTTCTCTTCTGTCTCCCCATCAGTTG  
GGGCTTTTTTCATAAAATTTTCAGAGTTCTTTTTCTACCCATTTTGAGTTTTTGTGTTTGTAGCCTTTCTCCTTCC  
ATTTTATCTTCCTTTTCTTCAACACCACCATTGTAGCTTATGATAAGATGCTTGTATACGAAAACTATAGTGG  
AATGAAATCATTATTCAATTTTCGAGTTTGTAAATTTACAACCTCATGTCTTCCTTCGTCAAGTATCAATGTATTTTTC  
TTTTTGTGTTTCAATCTCTAATTTAATGTATAACTCTTCTTCAACAACAATCTACAATTTTGAGATTTTCATTCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTT  
ATCAATCCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCAATTTCCCCAAAAGGGGGGCTAATTTCCCCGCCCCC  
CGGGCGTCTTTTTACAACGCCGGGCGGGGAAAACCCCGGGGTTTCCCCAATTAAATCCCTTTGAAAAAAC  
CCCTTTTCCCCAGGGGGGAAAAAACAAAAAGGGCCCCCCCCCAACCCCTCCCCAAAATTCCCCC

>trans\_c\_927 NM\_123113|Arabidopsis thaliana aspartyl protease family protein (AT5G37540)  
mRNA, complete cds

ACTTCACCAATCCCACCAAACCCATCAAAAAACCCCCACAATCAACCATGCTTCTAATCCTCTTCTCTCTCTCC  
TTATTCACTCTCCCCTTCTCCCAATCCAATTCCGTCTCTCTCCCCTTCCCACTTTCTCTCTCTGAAAAACCTCCAA  
TATTTCCCAATATACGGTTCAGCTTTACGCCAAAAGCCATCCTCCCATGGCTCCTTCAAGCTTCCTTTCAA  
ATACTCCTCCACCGCCTCGTCGTCTCTCTTCCGATCGGAACGCCGCCACAGCCCACTGACTTGGTTCTCGACAC  
CGGCAGCCAACTCTCTTGATTCAATGTCATGACAAGGTTAAGAAAAAATTGCCCCCTTGCCCAAGCCTAA  
ACGGCCTCCTTTGATCCTTCTCTCCTCTCTTTTTCTCTCCTCCCTTGTAATCACCCCATCTGCAAACCCGAAT  
TCCAGATTTTACCCTTCTACTTCTTGTGACCAAAATCGCCTCTGCCACTACTCTACTTCTACGCTGACGGTACC  
TTGGCCGAGGGAAATCTCGTCAGAGAGAAATTTAGCTTATCCAATTCCTTTTCTACCCCTCCCGTCATCCTCGG  
TTGCGCTCAAGCTTCCACCGAAAACAGGGGTATTTGGGTATGAACAAGGGACGTTTGTCTTTATCTCCCAA  
GCTAAATCTCAAATTCTCCTATTGCGTTCGCTCGAACCGGGTCTAATCCCACCGGGCTATTCTACCTCGG  
AGATAACCCCAATTCTTCCAGATTCAAGTACGTACCATGTTGACTTTCCCCGAAAGTCAAAGCTCTCCGAATC  
TCGACCCACTGGCTTACACCCTCCAATGAAGGGAATAAAAATAGCCGGAAAACGGCTCAACATCTCCCCAGC  
CGCTTTCAAACCGGACGCTGGTGGTTCGGGTCAAACGATGATTGACTCCGGTTCGGACCTCACTTATTTAGTG  
GATGAAGCGTATGAGAAGGTTAAGAAGAGGTAGTGAGATTAGTGGGGGCGAAGATGAAGAAAGGCTACG  
TATACGCCGCCGTAGCCGACATGTGTTTCGACGCCGCGTGACGGCGGAGGTGGGCCGAGGATTGGCGGC  
ATTTGTTGAGTTTGATAATGGGGTGGAGATTTTGGTGGGGAGAGGAGAAGGGGTTTTGACGGAAGTGGA  
AAAAGGGGTGAAGTGTGTGGGGTTCGGACGGTCAGAAAGGCTTGGGATTGGGGGTAATATAATCGGT

>trans\_c\_928 Novel Gene

ATTGATGTTTACGAAGGTGGCAGTAAGGATGGTCTTCCTGGTTTACAAATTTACACCTTACTAATGAACACAAC  
TGACATTCAACAAGAAATTTGAATAAACTTCACAAGATAATGGCTCAATTCCTGGATACCCCTTGAGTTAG  
AACTCCTCATAACCCTTGGTTCAATACATCCTTGGTTAGTAAAAACCGCAGTGTGTGCCAACAAATTTTCACTG  
ATAGAGAAATGATGGAGCTAGATAGATACAAATTTGATTTGAGGAAAGGATCAAAGTGATGTTTGTCTGAA  
TCTTGTGTATCGTGTCTCAAGAAGGAAAAAATTTGATCTTCTGCCACAACATTGCACCCGTGAGACTATTTG  
TAGAGCTGTTTGAGAATGTGTTTAGGTGGAAGAGAGGCCGTGAAATCTTGGCCCTCACAGGAGACCTCGAGC  
TGTTTGAACGAGGTAAAGTGATGGATAAGTTTGAAGATCCAGTGGGGCCATCCAAAGTTCTTCTTGCTTNCAT  
CACTGCTTGTGCAGAAGGCATAAGTTTGACAGCAGCTTCACGAGTCATCCTACTAGACTCGGAGTGGAATCCT  
TTCAAGACAAAGCAGGCCATTGCTCGAGCTTTTCGTCTGGCCAGCTTAAAGTGGTTTATGTCTATCAACTACT

AGTAACTGGCACA CTGGAAGAAGACAAGTACAAGAGAACTACATGGAAGGAATGGGTGTCGAGTATGATTTT  
CAGTGAGGCATTTGTGGAGGATCCTTCTAAATGGCAAGCAGAAAAGATTGAAGATGACGTTTTAAGAGAGAT  
GGTGGAGGAAGATAGAGTCAAATCATTTTCATATGATTATGAAAAACGAGAAGGCTTCTACTGTGATCAGGGA  
ATTAAGGACTAGCACCTCAATATCATTCTCAATGGAAGTAGAAAACTTGTACTATCAACCTCGAAGTCAGAT  
GTTTCGATTCTCCCCTCCACATATCATAAACAAAAATAAGCTTCATCAGAAAGAAAGTTTGGTTAAAATATTGT  
TATGGTCCATTTATTTTAAACTTGTCTAAATAGTTCATGTATTTCTTAGGGTTCAAATTTAGTCGATGTACTTT  
CTAATTAGTTCATGTATTACTTTCTTCTTAATTTCTAACGTGAAGTCTATTAGTCTTTTGCCTATATACTTGTGTG  
GTCTTTTCTTTAATTAATAATTATCGTTATTATTTTCTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_929 M90504|Glycine max RNA polymerase II fifth largest subunit mRNA, complete cds

ATTTTTCATTCTCATTTTGGCCCAAACCTTGCAACGCACTCAACCCCTCAGGCCTTCAGCGCTCGCAATCCCTTC  
GGCATTAGACCTTCACATTCGGGCAACGTTGAGAACCTCGCACGTTTCGGACATCACATTCGGGCGAACGT  
TTCGGCCTTTGCTTTCATCTCACTCTCTCTTGGCCCTCTTCTGCTTGACGCTTTTGGCGCTCCGCCATCTCTCT  
CCGCTCAGCGCCACCGCCGCTCTACCGGAGTTGCATTCATTGAATTCAAGTGGTTTTCTTTAGTTAGAGGA  
AGCCAATATGTTTTTTCACATAGTTCTGGAGAGGAATATGCAGCTACACCCTCGCCACTTTGGCCGTAACCTAC  
GTGAGAACCTGGTGTCCAACTGATGAAAGATGTTGAGGGCACCTGCAGCGGCCGGCATGGGTTTGTAAATTG  
CAATCACAGGAATTGAGAATATTGGGAAAGGATTGATTCGCGATGGGACTGGCTTTGTCACTTTTCCCGTGAA  
ATACCAATGTGTGGTGTTCGACCATTCAAGGGAGAAATTTTGAAGCGGTTGTTACTATGGTAAACAAGATG  
GGCTTCTTGTGAAGCTGGACCTGTTGAGATTTTGTTCAAACCATTTGATACCAGATGATATGGAGTTTCA  
GTCTGGAGATGTGCCAACTATACCACGTGAGATGGATCGGTTAAGATTGAGAAGGATAGTGAAGTTTCGATT  
AAAGATAATTGGCACTCGAGTAGATGCAACTGAAATTTTGTATTGGAACCATAAAAGATGACTTCTTGGGT  
GTGATCAATGACCCTTCAGCGGCTTAGGTCTTCATCTTTGATGCAAGTTTGTAGATTGTTATGTATTAACCTTGA  
CATTGATAAAAGAAAATCTAATTTTGTGTATAGGCTCTGTTTTTTCAACCGTTTATCCATTTATTTCTAGGGG  
GGGTAAAATGAGAAGTATATTCTAGGGTTAAATTATAAATTTGAAACCTTACAGTTTCGGGAAAGGCTATA  
ATGTAATCTATTATGTTGTTTTAAAGGTTTTAACCTTCATGGTTAGATATAAACTCTAAATAGTCATTGTTGTTG  
GATACAACTTTTCATGAATAATCTCTACAAATCTATTTTTTAATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_930 NM\_129519|Arabidopsis thaliana glycosyl transferase family 2 protein (AT2G39630)  
mRNA, complete cds

ACGCCCTTGCGAGGAGGGGACTCTGAGAGCGCGATCGCCAATGGCGTCTCTATGGCCTTTGATGGAGGTTCT  
CATCTATCTCCTTCTCGTTGCAGCTTTTATTA TACTCTCCCTTATCCTCTTCGAAGCTAATAGAAGAAGGCTTAAC  
CACTCCACGTTGAAGCTCCTGCGGTCTTCTGGATCCTATTACGTCCACGCAGGTTTCTTGTCTTCCATCTTC  
GATCCGGCTGAGAAGTATATTTCTTTGATTATTCCTGCATATAATGAAGAGCAGAGGCTTCCCGGTGCTCTGCA  
AGAAACCATTGATTATCTTCAAGAACGTGCGACAAAGGATAAATCATTCTCATATGAGGTGCTTATTGTTGATG  
ATGGAAGCATTGATGGGACTAAAAGAGTAGGTTGGGAATTTTCCAAGAAGTTCTCAGTTGACAATGTGAGAG  
TTATTCTTCTTGAAGAAATCATGGAAAGGGAGAAGCTATTAGAAAAGGGATGTTGCATTACGTGGTGAATT  
ACTTTTAATGTTGGATGCTGATGGAGCAACCAAAATTACCGACCTAGAAAACTGGAAAATCAGATCCATGCC  
TTTGCCAAAAGGAATCTATTGGCTCTAATTTTAGAGTTTCTGATATCCCTGTTGCTACTTTTGGTTCTCGTGCT  
CATTTGGAGGAAAAGGCTCTGGCTACAAGAAAGGTGTACCGTAATTTCTTGATGAAGGGTTTCCATCTTGTGG  
TTCTTTTAACTGCCGCTCCTGGAATCCGTGACACTCAGTGTGGTTTCAAGATGTTTACCAGATCTGCAGCTAGA  
AAGCTTTTCACAAATATTCGTTTGAAAAGGTGGTGTTCGACGTCGAGATTGTTTATCTGTGCAAGCGATTTC  
TATTCCAATTGTTGAAATATCTGTGAACTGGTCCGAAATCCCTGGATCAAAGGTAAATCCATTGAGCATACCCA  
ACATGCTTTGGGAGCTGGCTCTCATGTCTATGGGATATAGGACAGGTATGTGGAGACTTCATACATAACCTTC

GAGGCGATAACCACAATTATCTTGATGATAAAGAGTGTTTATTTAGGAAACAAATACTAGCACAAAATATTTA  
GTTTTATACGCACACAAGTTGTGACGATCAATTTTCATTTATGTAAATTATTGGGATGTTACTACTTTTATTCTT  
TACCTTCACCAGCTAATCAATCGGATGTCAAAGTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_931 XM\_002868180|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AGCTCCAGTGGCAACGTAAGCGTTAGAAGTAGTGTGAGCAATGACACCGGTGTAAATAAAGAGATTAAGAAT  
GATCTTAGGCTCTCTCCATAAGAAATCTTTGGCTCCAAGTCAAGCTAGTCGGGATGATTATGAAACCGGAA  
CACAGAGTGTGAGTAGCTTCAGTAGTCCAAGCCATGTGCATGAGACAGTCACTCTGAGTCCTCTCCACATGG  
TAATGGTCTGGGTCGTTTTAGTGCCGCTTCATCTCTCCAGTCTAGTTCCTGAACGCCCATATGCTTCCAAAGG  
ATCCTACCCTATTGTCACTGACTCAAGATCACATACCTCTGGGTTTGATGAAAAGGTTGCTCAGAGGGGAAAC  
ACTACTGATCCATTACTGCTTTCAGCTCCGACTACTTCTCTTCTCAGAGATGTCAGAAAGACATCAGTCGTCTGG  
GACCAAGAAGCCGGGAGGTATGTCTCAGTTCCTGTATCAGTTCAGAAAGTCGTCTCTCGATCGTCTGTGC  
AGATAGGTTTGCCAAATATAAATGCAGAAACAAGCAACAATGCAAGAAAGCCGATTGCTCCACTGCAAGCTA  
CATCATCTTCAAACACAAAAGCTCCATTGCAGCAAGCAGAGAAGTTAATGTACACAGGAGAATCCATTTTCTTC  
GGTGGTCTCTAGTGAATGTCCCTTCTCGTGATAATCTGAGAAATGAAAGAGTCTCGACTTCAAGAGAGAGCC  
AAGACAGAATGGCAATGAATCTATCCCGCAATCGAGATTTAAAAGAGACTCGGCTTCAAACCAACTTCTGT  
TTTTGTACCTGGTGGTTATGAACAAAGCCGTCCATCTGGTTCTCGTTAAGGTAGGTAGGCACGAACGTTGGT  
CGATCTGGAAGCATATGATTTGGCTGCCAAAAGGTGTAATTAGAAAACATTCTCCTATCCGCAAGTTGGAAA  
CAAAAGCCAAAAAAGATGGAATCTATTGTTGGCTCCGAAATCTTGCAACCTGGCATTGTTGGCAAACGTGGTT  
GGTACATATGAAGGAGTTTCTCAAGAATGCATTTTGATTAACACGGCTTTAGGTGTAATTTGTAATTGAGGT  
GGGGATCGCTCCTTTTCTCCATCTCNAATTGTAGCCTAAAGGATATTCCTAGTTTTTTATTCTTAGCCTCTGA  
ACTTCATTGANGCATTCCATGGAATTATTATCTAGTTCGCTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_932 AF064786|Carica papaya beta-galactosidase precursor, mRNA, complete cds

AGGGCAGTGTGCTGCTCTTCTAGCAAATATGATCCATCAACTTCTGTAAGAGTCATCTTTGGAAATCATCCAT  
ATGACCTGCCACCTTGGTCCGTCAGCATCCTTCTGACTGCAAACTGTCGTTTTCAACACTGCAAAAGTCAAT  
GCTCCATCCTATTGGCCTAAGATGACGCCAATTAGATCATTTTCATGGCATTATACAATGAAGAACTGCTTC  
TGCGTATGCTGATGATACAACCACCATGGCTGGGTTAGTAGAGCAAATAAGTGTTACCAGGGATGGAACAGA  
TTGTTTGTGGTATATGACAGATATAAGGATCGACTCGAATGAAGGCTTCTTAAAAAGTGAACAATGGCCTCTT  
CTCACCATCTTTTCAGCAGGGCATGCTTTGCATGTGTTCAATAATGGCCAACTATCTGGAAGTGTATATGGGGG  
GTTGGATAATCCCAAATTAACATTCAGCAAATATGTTAACTTAAGGCCAGGAGTTAAACAAGCTTTCAATGTTGA  
GTGTTGCTGTTGGTCTCCCGAATGTTGGCCTGCATTTTGAGACTTGGAATGCTGGCATCTTAGGTCTGTCA  
TTGAAGGGTCTAAACGAGGGTACAAGAGACATGTCTGGATATAAATGGTCTTACAAGGTTGGCTTGAAAGGA  
GAATCCATGAATCTTCATACTATTAGTGGAAGTAGCTCTGTTGAATGGATGACAGGCTCATTGGTGTCTCAAA  
AACAACCGCTCACATGGTACAAGACGACTTTCAATGCTCCGGGAGGCAATGAACCGTTAGCTTTAGATATGGG  
CAGCATGGGTAAAGGTCAGGTATGGATTAATGGTCGGAGCATCGGACGTCATTGGCCTGCATATACTGCACG  
AGGTAGTTGTGGCAAATGCTACTATGGTGGAATTTTTACTGAGAAGAAATGTCATTATAGCTGTGGAGAGCCC  
TCACAAAAATGGTACCACGTTCTCGAGCTTGGTTGAAACCGAGCGGAAATATCTTAGTGATTTTTGAAGAAT  
GGGGTGGCAATCCTGAGGGTATCTCTTTGGTTAAGAGATCATGATTACACAAAAAGAAAACTTTCATATTGA  
GGCTGCCTACAGCTAAGCTCAACCATGCCTCATATTTCTCTAGTTTTACTATATACATAGATTCCTCGAAT  
TATAAAGTTCATCTCGAGTTGCTTGAACCACTCGCCAACTCGGGCTAGTAGCTCTGCGTCTCAGACCGAACGT

>trans\_c\_933 Novel Gene

ACAACAAATGAGTTGCGGTTCCCCATTGAGGGAACCTCAACTCAATAAATCTAATATGTAAGGCATTGAACTC  
AGAGTTGGCTATAACGTGCTAAAAGATGAACAGTCTTCGCAGCTATGGATCCGACTCGAGTCGAATGAAATTA  
AGAAATTTCCAAGATGAATAAGCCTTTGTTGGTGTATGGAATCTTTCGCTGCGTACTATAGTAAAAATGCCTGA  
TAATAGGTGAGATATCATTATTTTAAAGTAATTGTCGTTCAAATGTGCGCAACTTGGTGGTGGTATTCTACTGC  
TGTGCGTGTGGAGAGAATCCGCAGAGCAGTTTGCCGCAACTCAGAGGCCTGCATTTGAGGTAGCATACCATC  
ACTGTTGAGGGACAGTCAAGTTTTTTTACTGCTCAAGTGCTAGTCTTGCAACATGATCTCTTTCATTAGACAAT  
GGATAGCATCATGGCATTGACCTGATCAACGAGCGGTAAAAACTTGGTGTCTTCGGAATCATATTCAATG  
CATTTACATTTGTTTGAATATTTGAAAACAACCTGCGTGGGGATTGAGACGAATATGTTGGGGTAAGGAGCAA  
TGCCATTGGATTTTCATATTATTCTTTTCATGACATAGTATCAATAGCGTAAATAGGTATGTTGATATCACTTTC  
TTCATATTTCCATCCTCCCCTCCAATTAACTTGGGCCAGTTTTTGATTGTTTATTTGTACAAAGCTATAATGTGT  
ATGTCAATATCGATTTACGGCTGAGTGTGGTTTATATAGATACTAGGATGTATAATGTTCTAATTTTTAGATTAT  
TGCGTAGTTGGTCTGATTTTGCACGATGGAATCAAATGGTGTCAAGTGTAGGAAGACGGCAACTCTCATTTAG  
AAGCCTTTTTTTTTTAAATCTTTTTAGAAAAGAACAATACCAAACGATCAAACGTTGTTCTTTACACCAAGTCCT  
CATATTGGCCTTCGTATGTAAAGTTTAGGGTACTTTAAATCCTCTAAGTCGGTCTACATCCTATTTTGTCTTGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTCAAACCCCCCCCCCCCCAAGG  
GGGGGCCCGCCCCCAATTCCCCAAAAGGGAGCCTAAATACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTAA

>trans\_c\_934 NM\_115073|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein  
(AT3G52140) mRNA, complete cds

TGCTGCAACTTTCATAAATGTTGCAATGATGTACCAGGATATTGGAAAGATGAATACTGCTCTTCGTTATTTGC  
AAGAAGCATTGAAGAAAAATGAAAGACTTCTAGGCGAGGAACATATTCAGACTGCTGTTTGTACCATGCTCT  
TGCTATTGCATTCAATTGTATGGGTGCCTTTAAGTTGTCCACCAGCATGAAAAGAAAACCTACGATATACTGG  
TGAAACAATTGGGTGAAGAAGATTCGCGGACGCGAGATTCCGAAAATTGGATGAAGACATTTAAGATGCGTG  
AGGTACAGATGAATGCTCAGAAACAGAAGGGCCAAGCTTTGAATGCTGCCTCGGCTCAAAGGCCATTGATC  
TTCTCAAGTCTCATCCAGACTTAATACAAGCATTTCAAGCTGCTGCAGTAGCTGGCGGTGGATCTGGCAGTTCT  
GGAGCTCCCATCAACAAATCCCTGAATGCTGCCATTATTGGTGAATAATCTTCCTCGTGGTAGGGGTGTAGACG  
AGAGAGCTGCTCGTGCTGCAGCTGAAGTTAGAAAGAAAGCTGCAGCTAGAGGCCTCTTGATACGTGAGCCTG  
GTGTCCCAGTTCAAGCTATGCCTCCACTTACCCAGCTGCTCAATATCATAAATCTGGCATGACGCCGGATGCA  
GTGGATAGTAGTGAAACAGATGGTGAGAAGAAAGAAAGTTAACACCAACCTTTCTAACACACCCCAGTTGAT  
GGAAACAAGAACAAGCCCCAGTCGGATTAGGCTCTGGATTAGCGTCTTTGGATGCAAAGAAACAAAAACCG  
AAATCAAAAGCAGCAGTTTGATTGCTGGAATTTTTTTGTTATGTTAGCCTGATGATAAATAATTTATTTGGGAC  
AAAGGGAGGCAACTCTCTAATTGGCTAATTATGACACTTCTGAGTCCATTTTAGAAAAGAGTTGAGCTTAGTT  
GTAGCAATTGGCTGCTAAAAATATTTGTTTAGATGTGCCAGTGAAGTTATAGGCATCCCATTTTTTTCAATCCTT  
TCTCAATAATTAGAGTCGTTCAAGGGGGGATTTGAGCACATTTTATCTTTTTGTTTTGTTTCTGTTTCCAAG  
TCAAAACTCCGAAATCAGGTTAATGTAGAACACCTGCGTTCATTTGTACGGTATGTAACGAAATATGATCTTCA  
TCGTCAATTTTCATACCCTANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_935 NM\_001065957|Oryza sativa Japonica Group Os07g0300200 (Os07g0300200)  
mRNA, complete cds

GAAAAAAAAAAAAATGAAAAGCATAGCCACGGTGATGAGGCTCTGGAGATTATGCGGGAAGCGTAAAAATT  
GCGATTTAAGGTTGACAAGGTTGAGTATAGTGCAATAGTTCATGCATACTGCAAGGAAGGAAAGATTCAGAA  
GGCAAAAGAGCTTGTTAGTGAAATGTTCTCCAAGGGCTGTGATCCAGATGTTGTAACATACACCTCTGTCTT  
GATGGGTTTTGTCGCATAGGGAACTTGATCAAGCTAAAAAGATGATGCAACAGATGTACAAGCATCCCTGC

AAACCTAATGCTGTAACATATACAACACTGCTAAATGGTCTTTGCCGCAACGGGAAATCTTTAGAAGCTAGGA  
AGATGATGAATATGAGTGAGGAAGAGTGGTGGACACCTAATGCCATTACTTATAGTGATGTAGTTCATGGGT  
TGCGCCGTGAAGGGAAATTGAACGAAGCTTGTGATGTACTCAGGGAGATGATTGGAAGGTTCTTTCCAA  
ATCCAGTTGAAATTAACCTATTGGTACATTCTCTTTGCCGGGATGGGAAACCATATGAAGCTAATCAGTTACTG  
AAAGAGTGCATGAACAAGGGTTGTGCTGTTAATGTAGTTAATTTCAACACTGTCATTCATGGATTTTGTGAGAA  
AGATGATTTGGAAGCTGCACTGTCATTGCTGGATGATATGTACCTTTGTAACAAGCACCTGATACCGTGACAT  
ACACGACATTAATTGATGCACTGAAAAAGACTGACCGTATAGAAGAAGCCACTGAACTTACAATGAAGATGCT  
GAGGCAAGGATTGGTTCCTTCTCCTGTTACATACAGGTCTGTCATCCACCAGTATTGTGAAAGGGTAGAGTG  
GAAGATTTGTTGAAATTACTGAAGAAGATGCTTTTGAAGAAGCAGATTTCAAACAGCATATAATTTAGTTATTGA  
GAAATTATGTAAATTTGGATACCTCGAGGAGGCCAATAGCCTTTTAGGTGAGGTTTTGCGGACGGCTTCAAGA  
ACCGATGCTAAAACCTGTGATGTACTCATGGAGAGTTATTTAAATGTTGGAATTCCTATGTCAGCATATAAAGT  
TGCTTGAGAATGTTCAATAGAAATCTAATCCCGATTAAAGTTATGTGAGAAGGTCAGCAAGAGGCTTGTG  
TTAGAAGGAAAATTGGAGGAGGCCGACAGGCTTGCTTACGGTTTGTTGAGCGTGGTCATGTTTCGGCTCAA  
GAATCA

>trans\_c\_936 NM\_001067588|Oryza sativa Japonica Group Os08g0161900 (Os08g0161900)  
mRNA, complete cds

GAGTAGATTATTACAATATATTGAAGGTGAACAGGAACGCCAATGACGATGATCTCAAAAAGGCGTATAGAA  
GATTGGCTATGAAATGGCATCCTGATAAAAACCCCAACAACAAAAAGAAGCTGAAACCAAATTCAGCAGA  
TCTCCGAGGCCTATGAGGTGTTGAGTGATCCCCAGAAGAAGGCTATTTATGATCAATATGGTGAAGAAGGGT  
TGAAAGACATGCCACCACCAGGCAGTGGAGGCTTCCATTTGCGAACGGTGGTGGAGGAGGATCAAGCGGG  
TTTAATCCGAGGAATGCAGAGGATATATTTGCAGAATTTTTTGGGAGCAGCCCTTTCGGTTTTGGCTCATCAG  
GACCAGGAAAGTCTATGAGGTACCAATCAGATGGAATTTTTGGGGGATTTGGTGGAAGTGAAAATATTTTA  
GAACATATAGTGAAAATGTAACACTAAAGAAACCTCCACCGGTTGAGAGCAAATTGCCCTGTACTCTTGAAGA  
ACTGTATTCAGGATCAACAAGGAAAATGAAGATTTCAAGAACAGTTGTTGATGCCAACGGACGACAAGTTCCC  
GAGACAGAGATATTGACCATCGATGTGAAGCCCGTTGGAAGAAAGGGACCAAAATCACCTTCCCAGATAAA  
GGAAATGAACAACCAACCAACTACCTGCAGATCTAGTATTTGTCATTGATGAGAAGCCCCATGATGTTTTCA  
AAAGAGATGGTAATGATATCATTATGAGCCATAGGGTGACACTAGCAGAAGCATTGGGTGGAACAATAA  
ATCTCACCACCCTCGATGGTCGTAACCTATCAATACCCGTAATAGACATTGTTAGCCCAGGCTACGAGCTCGTG  
ATTGCCAGAGAGGGAATGCCAATTGTAAGAGAGCCAGGTAACCGAGGTGATTTAAAGATCAAATTCGACGTA  
AAATTCCCAACAAGATTAACGCCCAGCAACGAGCAGGACTCAAACGTGCTTTGGGAGGTAAATGAAGAAAA  
AAGAACAATAAGATATTGGTGATCACTTAATCTGCCATATGCAAAAACCATTTGGCAATGGATTGTTGAACA  
GTAGGGCCAATAAAACCATATGCCCTCACAAATTTAGATTCCCACTCTTGTAACCTACCCACAAATTGTTCTTC  
ATTTGTAAACTGTAACTTCTGTTCTTCCAGTTAGTTTTGTATTACTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_937 NM\_001054672|Oryza sativa Japonica Group Os02g0751800 (Os02g0751800)  
mRNA, complete cds

GGTCATAGGCGTGGGTGAGAGGGAGACAGTAAACCAAACACGAATTACTCAAAAAGAAAAGATTGCGCAT  
CCTCCGTTCCGGTGTTCTCGGCCCGGTATGTAAACTTTGGCATCCTACGTTGTACAGAATCTGCAAACTTG  
GTGCCCTCCTATTTGGATCAAATCTATTTGCCATCTCTTGCTCTTCTACTTCCACTAAATCGGACCGGCAGCTC  
AACTTGAAACAGCTCTGATATTAATTCGACATGGTGAGTCAATGTGGAACGAGAAGAATTTATTCACTGGCTC  
TGTTGATGTACCTTTAACAAGGAGAGGTGTAGAGGAAGCAATTGAAGCTGGTAAGAGGATTTGCAACATACC  
ACTAGACTTTGTGTATACTTCTGCGTTAATTCGCTCGCAAATGACAGCTGTGCTTGCTCTGACTCAACATCGCT

GCAAAAAGGTGCCTATAATTATGCATGATTGTAGTAAACAGGCAGAGGCATGGAGTCAAATTTACAGTGATG  
AGGCTAAAAAGCAATCATTTCTGTTATTAGAGCTTGGCAATTGAATGAAAGAATGTACGGTGAGCTACAGG  
GATGGGATAAACAGGAGATTTCCAAAAGATACGGTAAAGAGCAAGTGCATGAATGGCGTCGGAGCTATGAT  
ATTCCTCCGCCTGAGGGTGAGAGCTTGGAGATGTGCTCACAAAGAGCAGTCGGATATTTTAAGGAACATGTA  
AGCACTCTCAAATCTTGTGTTTATTATTTAATGATTCTCACAAAGGCAAGAAGGAATTGTAGATTGAACCACAG  
CTGCAATCTGGGAAGCATGTTATGGTTGCAGCCCATGCCAATTCGCTAAGGTGTATTATCATGTATCTAGAAA  
AATTGACTTCTTGCGAGGTAATTAACCTGGAACATCAACTGGGGTACCATTACTTTACATATACAAGGAGGG  
ATCGTTTATGAAGCGAGGGAGTCCTGTAGGTCCTTCGGAAGCTGGTGTATATGCATTAATAAGAGTTTAGCA  
CTTTACAGGCAAGAGTTGGACGAAATGTCTTGCTGAATTCCTAAAGTTCAGTGAAATAGGAAACCAGTGGAC  
TCACAGGGGCTTGCTTCTTCTTCTGTTCTAAAACCAAACGGTTCATACTAATTACAAATTGTTTGTTGCTCGTA  
TGTGGAGAAGTGATCTCTGTTTCTGTAGTGTATTGAGGTTATCTGCAGCTGGCTCAAGCACTTCTGAAAGG  
ACT

>trans\_c\_938 AY052257|Arabidopsis thaliana AT5g40670/MNF13\_190 mRNA, complete cds

ATAGAGAAGAATATCCTCCGGCCTGATCGAAGAGAGAAAGAAATAGAGAAATGGGTTCATGGAATTCGATT  
CGATGGAGGTCATGTACCAGGTTTTAGGATGGATATCCATTATATGTTGGGCCTTTCTGGATATCCACAGCTC  
CTTCTCAATTTCCGACGAAAAAGTGTGTAGGATTAAGCTTTGATTACGTGGTTCTGAATTTACGAAGCAAGC  
TTCGTATTTGATTTACAATGTTACTCTTCTTCAGTCTATTGTTTCTGAGAGCAGTATTTGATAAATACGGCTA  
CGATCAGATGATACCGGTGGCTTTGAGTGACGTATTTTTCCCTCGCACGCTATTCTATTGATCTTCGTCGTAC  
ACTTCAAATTGTATTTTTGAACGTGGCAACCAGAAGGTCTCGAAGGCAGCCATCGGCATCTTGTGTCTGTAT  
GGTCTTCGACGAGGTTGCGTTTTGATAGCTAGCTCAACCCATTCTGCTTTGGCTCATCTCCATGTTCAATT  
CAATTCAAGTTTTTATGACACTCATCAAATGCTCTCCTCAGGCATTTATGAACTTCAGCCGAAAGAGTACAGTG  
GGATTGAGCATTGATCCAATAGTCCTTGACCTCATTGGAGGAGTAGCAACTTTAGTTCAAATGAGCGTCCAGT  
CAATTGACCAAGGTTCTTGATGAACTTTTTGGAAATATTGGGAAGCCCTCGTTAGCTTTGGTCTCTATAGCG  
TTTGATCTGATTTTCATCTATCAACATTTTGTATTATATCATACAAAGGCATCAAAGGTTTCATTTGAAATTGAC  
CCTGAAAGCATTGAGCCATTGATTAAGGACTCTGTAATCACTTGCAAAGGCAAGGAATTGCCCCAACCTGTTG  
ATCCTTGATATGGTATTGCTTTCACCTCTTATAGCTTCTTTTTGTGCAAAGAGGTATATAAACATCATATGTGT  
ACTCAAGTAAATTCTACTTTGGTTCATATTAAGTTCTGTAATATTTAAACGGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGG  
CCCCCCCCCCCCCAAAACCTTATTAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCTTCCCC

>trans\_c\_939 NM\_105344|Arabidopsis thaliana SGA2 (SGA2) mRNA, complete cds

AGAAATGAAATTCGCCATCGACTCTGCCCCCATACGCCACCGCAGCAGACCGATGATTTTCGTGCCCTCACA  
ACTCCCGCCAAATCCCGCAACCGGTTATCGCCGGTGACCACCTCATATTTCCGGTAAACTTCTTTCTTTTTAT  
TTTCAATTATTTTTTTGAAAAAAAGAAAATCTCTTCTTCGGCCCCCTCGAAACAAAACCAAAAACTCTGGCT  
ATGGAACTCCGACTTCTTCTTCAACTTCTTCCGATTCCGTCATCTTGCATTTGATTAACACTTCCACTT  
CCACATTAGGGTTTTCCGCTATTTCAATTTCTCCACTAATTCATGCGAGCCAAGTTCCTCTGAATTCGAACAC  
AATGAGCGCTGTTAATATCACCAACGTTGCAGTTCTTGATAACCCGTCTCCCTTCTCTACTCCCCTTCAGTTGA  
GATCTCCTACGAGTGTGTTGCTGCTCTCAAATACGATTGGAATGGAACTAATTTACGTGGGGTCTGCTGAG  
GTTGAGACATATGATCAACTATTGGAGTGTGTTCTTGTTGGGACCTGTCAATGTTGGTAACTATCGTTTTGTATT  
GCAGGCTGACCCTCCAGACCCGTCCAAAATCCCTGAAGAAGATATCATTGGTGTAAGTGTACTTCTGTTGACCT  
GCTCATATATGGGTCAGGAGTTCATCCGTGTTGGTTACTACGTAAACAATGATTATGATGATGAGCAGCTCAG  
AGAAGAACCTCCAGCCAAAGTTTTGATCGATAGGGTTCAGAGAAACATCCTATCTGATAAACCCAGGGTTACA

AAGTTTCCCATTAATTTCTACCCTGAGACTAATGATAGTGGAGAGGAACCTCCTTCTAACGATCCTGTATCAGC  
AGAAACTGACGGTGACGAACAACACTTCTGCTTCTCCTGAACATCCTTCAAACGATCAAAATCCCTAGATTTTGG  
AATTCCATCCAAACACCAAGTCGTGCGAACTTCTGTACCCCGATCACCCTTGGTCTCAGAGATCATCAATGC  
TGGAATCTTGGATGGCTTTTGGGTTCAAAGGTAAGACATCTTTGAGAATATGAAGGTTGGAATGCAGTTTG  
TTCAACTTCAGCTGCTGAATTTGCAATTCGGTTGGTTGCATGTTGGTTTGTAGTTGTACAAAGATAGTGCAAAAT  
TCATTGTTTTGAAGGCCTTGTGTTGATACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_940 XM\_002893701|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata galactosyltransferase family  
protein, mRNA

ATTCAAACATACACACCCATAAACGAATTTCTAATCACATTCTTCTACCATTTGATTCTGCCATAACCTCTGA  
ACAGAGCACACAACCTCCGAGGCAAAATCCATTTTTCAATTCCCTATGTTTTGAAGGCAATCACTATCCTCTTTC  
TCTTTTGGAGATGCTAATCCTCTTGCTTCTTCTTGTATGGGTTCAATTGGATTCTTCTGTTTGATGCTTTAATCT  
CAAGATAATAAGACTGGAGGCGTTTTGTTGAGCTTGGGAAGCTTCTGGGCTCTAATGGGTCTCACCAGACCTC  
ATAAGCCCACTAATGGCTTCTCTCCAGATGGGTTTTCTGTTTTGCATTGCTAGTTTCTTCTCGGTATTTTTGT  
TGTCGACAGGTTTTGGGCCGTGCCTGATCCAGTTCAAACAGATGAGGATGCATCTTTAGATAAAGTCCAATCA  
AAAATTCTCACCCATTGTTAATTGTGAGAAGAAGGAAGGTTCTTTTCAGGCTGATATTCTTTCTCAAGTATC  
ACAAACCCACGATGTTATCATGACATTAGACAAAACAATCTCATCATTGGAGGTGCAGCTAGCTGCAGCTAGA  
GCCTCTAAAGCGGATAACGATGAAGGATCTCCTATGGTTACAGAACCCGGAGCCAAGATTTTGAAGGAGCGA  
CCAAAGGTTTTCTTTGTTATGGGAATCATTACGGCTTTCAGCAGTAGAAAGCGAAGAGACTCCATTAGAGAAA  
CATGGATGCCTCAAGGTGAAGAACTAAGGAAGCTGGAGGTGGAGAAGGGAATTATAATACGCTTTGTCATTG  
GACATAGTGCAACCCGGGGGGGGTGGTGGATCGTGCTGTTGATGCAGAGGAGGCACAACATAAGGATTTT  
CTAAGACTGAACCACGTAGAAGGATATCATGAATTATCCTCAAAAACCCAAATATACTTCTCAACAGCAGTTGC  
TAAGTGGGATGCAGATTTCTTTATCAAAGTAGATGATGATGTTACATAAATCTTGGTATGGTAGGCTCTACAT  
TGGCCCGTCATAGATCAAACCCACGCGTTTATATTGGTTGCATGAAGTCGGGCCAGTTCTTGCTCAATCATGG  
GTAAAGTACCATGAACCTGAATACTGAAAATTTGGTGAGGAAGGCAACAAGTATTTTAGACATGCAACTGGG  
CAAATTTATGCCATTTGCAAAGATTTGGCTACCTACATTTAGTTAATAGGCCTATACTACATAAA

>trans\_c\_941 NM\_110982|Arabidopsis thaliana structural constituent of ribosome (AT3G01170)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTCCCTCTTTTAAGAGATGTATGTGGCTTTAAACCTCAAATCACGCTCTCTCCACTCTTGCTTC  
TTTATTATCTGTCTCCACTTCTTTGGCTTTAACCCCTCTTGCCGATTTCTTCTAACCCCATACCTCTGTTTTTTTG  
GGTTCAATTTCCATTTGATTCCATTGAGGTGTTGGATTGATTTGGACGCCGACAAAATTCTGGGTTTTCTTTT  
CATCTTCAATTAACAATACCCTTTCTCGATTTGATTGTTTTGATCTGATTTGGGTTCTGAATTGCTGGATGTGA  
TTGATTGAATCGGCGAAGTTTCAATCGTGTTTTTTTTTTTTCATTGGAATTTGATTTGAGATGGTCTATTTCCCA  
TACTCGATCTCGGTCTGCAAGTCCGTTGACCAACCAACCGTTATGGCGAGTTCGGTGAATTTAGCCGATTCAA  
GTTCCAAATCAAGAAACAAAAGGATGCCTGCTTCATCGACTTGTTGCGAAATTCCTGTTTGTCATCGGTCTCGA  
TCGGCCGTATCGATATTGTGATTTGATTGCTGTGGTTGGTGCTTGTTGGGTTTTTGTATTTCCTTATATGAAG  
CTTGATGATCGTTGAATCCCTTGAGATTTTTGGGGCGATTCTGTATTTAATGGGAGAAGAAGTCTCTCGTGCTCC  
TTGGATTTATGGATCCATTGGACTTAGTATTTCTGTGCATCATTAGCTGCTTGGGTTGTTTTGATTTGTACAAG  
CAGGAAATGTGGAAATCCTTATTGCAAAGGACTTCGAAAGGCGGCTGAATTTGATATACAATTGGAGACAGA  
GGAGTGTGTGAAGAACTCCACTCCATTGGTTAAAAATGGAGTGAAGAAAGGGCTTTTTGAATTGCCCCGTGAT  
CATCACCGTGAATTAGAAGCTGAACCTAAGAAGATGGCACCTCCTAATGGAAGAGCAGTGCTCATTTTTAGAG  
CAAGATGTGGCTGTTCTGTTGGTAGGTTGGAAGTCCCTGGGCCTAGGAAGCAGCTGAAGAAGATCAAGAAAT  
AGTAGTATCTACTAATAATATTGTTTAAAAAGCATATAGATAGGATATCATTACAGGTTTACTCAGTATGCGGA



>trans\_c\_942 NM\_001052585|Oryza sativa Japonica Group Os02g0174800 (Os02g0174800)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_943 NM\_001051336|Oryza sativa Japonica Group Os01g0847900 (Os01g0847900)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_944 NM\_001051156|Oryza sativa Japonica Group Os01g0817000 (Os01g0817000)  
mRNA, complete cds

TGAATTTCTGTTGTTTCATTGCTCATTACATTCAAACTCTAAATTTATTATTACCCCTTCCCCAAAATTTTCATT  
TTCAACCTCAATTTTTCTGTCTTTTCTTGGTTAAAGATACAAGGATATCTACAAAACCTTTCTGCTGGAGTTTCC  
TTCAATCCATCGCCGCCTCTACGGTCTCCAGTTGGTTTGGTACCGGAGTTGCTTTGTTTTCGTCGCTGTGGAT  
TCAGGTAATTTTACTGGAGTTCGTCGCGATGTGGATAAAAGTGAGAGTGGTGGTGGCCCTGGTATCGGGTCT  
GTGAAGGAAGAATCTGGTAATGGAATTGGGGAAGAGGAGATTTCTTTGGGGAAGCGAAAAGGTTGATGAG  
ATTGGTTAATGTTGAGGCGTTGAAGATGAAATTGGGGACCGATGGGAAGGAGGCGATTGGATATTTGGAGC  
TTCTAGAAGCTTGTAAGCATGGGTGTTGCTAGGTCTGAGGATGAAGCTGCTACTTTTGCTCGAGTTCTTGA  
TGAAGCTGGTGTGGTTCTTCTCTTTCGCGATAAGGTCTATCTTCATCTGACAAGGTGGTGGATCTTGTGAGAC  
GAGCCATTCCCATTGCTTTGATGCCGGAAGACGATCCAACGAGGAGCGAGCTAAAGCAGCTGCAAGAAAAGA  
AGGAAGAAATCGACGTATTAGCACATAAGCAGGTGCGCCGAATACTATGGACTGGGCTAGGCTTAGCTGTTT  
TACAAGTTGGACTCTTCTTCAGGCTAACATTCTGGGAATTTTCATGGGATGTAATGGAACCAATAGCATTTTTC  
ACCACAACAACCGGATTAGTTATAGGCTATGCCTACTTCTGTTCACTTCAAGAGATCCCACTTACCAAGATCT  
ATTGAAGAGGCTTTTCTCTCAAGGCAAAGGAAGCTATTCAAGAAACATTCTTTTGATGTTTGCAGATTCAAGG  
AGTTGCAGAAAAAATGTAAGTCGCCTCTCGATGCTACGGCAAATATTAAAAATCGGGTGGGCGTAGATCTCG  
AGCTTGAGGATTGTTGAGTAGAGATTAATACTACTACTATCATATACCCTTTCTTTATTAGAACAGGCAAG  
GGTTAACTATTATTAACATCCCTAATCTTTTAATTTCTTTCTTTATNATGGGGGCTGTCATCCAATTTTGGAGTT  
TAGAGGTATAAACTAGTAAAGAATATGGCCATTGTTCAAACAAATATGAAATGGATTACACTGAA

>trans\_c\_945 HM122454|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH16)  
mRNA, complete cds

AAATCCCTAATCTTCTTCAATTCTTGTGCTCCTCTAAAATTCACCTTCTTCCATTTTCTCCCTCCTCAGTCGTTCGA  
GCCCTAACCTAACTCCACTATTCTAAATTTCTTCAATTTTCATTCCCATCATTTTTCCAATTGTTCTGGTCGGT  
AAATAATCCGACAACTCTCGCTTCTTTTTTCTATAATTATTTGAGAAATGGTTTCCCCGAAAATCCCAATTGG  
TTGTTTCGATTATGGTTTGATCGAAGACATCCCTGTACCGGATGGGAATTTCCCGGTCACGAGCTCAAGCTTCTC  
TTGGGCTATTAGACCTTTAACGGCGCCCATGATACCGGTGTGGAAATTGATGGATCGTTGGCAGATCTGGAT  
GGCCGTCTAGAATCAGGCTCAAAGAAGCGGGTCAGATCTGATTATGTAGTGCATCAAGTCCAAAGCATGT  
AGGGAGAAATTGCGGAGGGATAGGCTCAATGACAAATTTCTGGAATGGGCTCCATTTTGGATCCTGGAAGA  
CCACCCAAAATGACAAGGCTGCAATTTTAGTTGATGCAGTTGCAATGGTGAATCAGCTGCGTAGTGAAACAC  
AGAACTAAAGGAGTCGAATTCAAGTCTCCAGGAGAAGATCAAAGAGTTGAAGGCTGAGAAGAACGAACCTT  
CGCGATGAGAAGCAGAGGCTCAAGGCAGATAAGGAGAGGCTAGAGCAGCAAGTAAAGTCCATGCCTGCTCA  
ACAACCTGGCTTCTTACCTCCACCAATACCCACATTTCTGCTCAGGGTCAAGCTCCTGGCAATAAGTTATTTCC  
TTTCATTGGTTACCACCAAGTGTGCTATGTGGCAATTCATGCCACCTGCTGCGGTGGACACGTACAGGATC  
ACGTACTCCGGCCACCTGTTGCCTAACTTGGTGGCAACCAAGGTTGCCAAAAGGAAACCATTGGCAGCCCCCG  
ATTGCTTGGCCCCTGGACCTTCATTTTACTCTGCCATTGTCACTAATATATATTAGTATTTTATGTTAGTAGGC  
TCGCCTGTCAATTGATTTGAGGGCTGCCTATGTTATTTGTCATTGGATACTTGAAAGAACTCTACCTGTTTTTC  
TTAAGTTTTGTAATTGTAAATGTGAATAAGTGAGTGATTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_946 EU256477|Glycine max short vegetative phase-like protein (SVPL) mRNA, complete  
cds

AAACATCTTTCACGCATTTTCATTCTGCGCGGATTTTCTTTTCCCTTTTCTATGATCACATCCTTCTTCTTTGG  
ATCTGCGATTACGACTCCTTCTACCTTGTTCTTTCGGTCTCCAACAACTGATCCTTGACAAATATGGCAATAAT  
AATGTCGCTCTTCCATCTCTGCAACTCCGATTCTGATATCCTCCTTGTCTGTGCTCCTCTTTTATTTTTTTGCTA  
TTTCTGGCTTGAATCATTCAATTGTTCACTGAAAGCAAGACTAGTTATAGAGGTTGAAATGGCGAAAGAGAAA

ATCCAGATCAGGAAGATCGATAACGCCACGGCGAGGCAGGTCACCTTTCTCCAAGCGTCGGAGGGGACTATTC  
AAGAAAGCCAAAGAGCTTTCCGTTTTATGCGATGCCGATGTTGCCCTCATTATCTTCTCCGCCACCGGAAAGCT  
GTTTGAGTACTCCAGCTCAAGCATGAAGGGAATCATAGAAAGACATAATTTGCACTCTAAGAACCTTCAGAAA  
TTGGAACAACCATCCCTTGAATTACAGCTGGTTGAAAACAGCAATTACACCCGATTAACAAGGAAATTGCTG  
AAAAAACTCATCAGCTAAGGCAGATGAGGGGTGAGGAACTTCAAACATTGAATATAGAGGAATTGCAGCAGT  
TAGAGAAGTCACTGGAGTCTGGATTGAGCCGTGTGATGGAGAAAAAGGGTGAACGGATCATGAAAGAGATC  
ACTGACCTTCAAAGAAAGTCGGCCGAGTTGATGGATGAGAATAAGCGATTGAAACAAAAAGCGGAGAAAAT  
GAATGGCGTGAGGCACCTGGGCGTAGAGCCCGAGATTTTGGTCGTAGAAGATGGCCAGTCGTCGAACTCCGT  
CACTGAAGTTTGTGTCTCCAACCTCAATGGCCCGCCTCAAGATCTGGAAAGCTCAGACACATCTCTTAAATTAG  
GGCTGCCGTATACCGGATGATGGTGATGATGGAACAAGAAGATGAACAGGTACTGTAGCTAGCAAAAAAGG  
TAGTGTGTAAAAATAATTATACTCTGAAATTCGGGTAAAGTTTGGTAATTGAAATCTAAATCTAACCCATGTCA  
TCTTGATTATCCAATTCACATGACTCCGATTGATATCTCGGGTGCATTTTAAAGAATTCATGCACCGTTTTAA  
CGAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_947 DQ442994|Glycine max phosphomannomutase mRNA, complete cds

AACCTCAACTGCGCTCTCCCATCATTATCTCTCCCTTTCTCACAACCTCGCCCAACGCCAGCTCTCCCGTCCC  
CCATTGCCCCGCGCAGCCCCCACCCTCGCCGCTCGTTTCTTCTCTTCTCTGTTTGCTTCTCCGGACACCGC  
ACTGTAGCCCACTACAGCCTCCGTACCCCGTCGTGCTGCCAGTCCAACCCACAGCCGTCGCCGGATTTGT  
GGTTATTGAAATCTTTGTGTGAAGTTTAGCAGTGAGTTTGGATCAAGCCACACTTTGGGAGATATATCGAGTG  
TGATGGCTGTGAGGAGACCTGGAATCATTGCCTTATTCGATGTCGATGGGACTTTAACAGCTCCTAGAAAGGT  
TGCTACTCCAGAGTTGTTGAAATTTATGGGCGAGCTCCGAAAGGTTGTTACAGTTGGTGTGTTGGGAGGATCT  
GACCTTTCTAAGATATCAGAGCAGCTTGGGAACTCAGTTATTTATGACTACGATTATGTATTCTCTGAGAATGG  
ACTCGTGGCACATAAAGATGGGAAGCTCCTTGGGACCCAGAGCTTGAAATTACATCTGGGAGAAGAAAATCT  
TAAGAGTATTATCAACTTTACGCTTCATTATATTGCTGACTTGGATATTCCTATAAAAAGGGGAACATTTATTGA  
GTTTCGAAATGGGATGCTTAACGTTTCACCTATTGGGAGAACTGCAGCCAAGAAGAAAGAGATGAATTTGA  
AAAGTACGATAAAGGTCCATAATATACGCCCCAAATGGTTTCTATCCTCCGGGAAAAATTTGCTCATCTTAATT  
TAACATTCTCCATTGGAGGGCAAATAAGCTTTGATGTCTTTCCTCAAGGTTGGGACAAGACATATTGCTTGAG  
GTACCTTGAAGATTTCCAAGAAATCCACTTCTTTGGCGATAAACTTACAAGGGAGGAAATGATCATGAAATT  
TATGAATCGGAACGAACTGTCGGTCACAAAGTTATCAGCCCTGACGATACTGTGGAGCAGTGTGAGGCCATAT  
TCTTTTAACAATATCCAATATCCAATATCCAATATCCTATCCGTTTGAATACTCCACGTTGTGATTTTT  
TCGGACGTTAATTGATTAAAGAACAACTTTTCAGCCGTTAGAAAAAGAAAGGAAAAAAACAACCTTTTGTT  
TTATTTATAATTAAGAATGGTAAAGGTGTTGGATAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_948 GQ205414|Solanum lycopersicum calcium-dependent protein kinase mRNA,  
complete cds

TGTCTGGAGTATAGGGGTGATCACATATATTTTACTTTGTGGGAGGCGGCCTTTCTGGGATAAGACAGAGGA  
CGGCATATTTAAGGAGGTGTTGCGAAACAAGCCTGATTTTCGACGGAAGCCTTGGCCAAGCATCAGCCCTAGT  
GCTAAAGATTTTATTAAGAAGTTGCTTGTAAGGATCCCCGAGCGAGATTAAGTCTGCCAGGCCCTATCCC  
ACCGATGGGTAGAGAGGGTGGTGATGCATCGGAAATCCCTATTGATATATCCGTTCTGAGTAACATGAGAC  
AATTTGTGAAGTACAGTCGTTTGAACAATTTGCTTTGAGGGCATTGGCTAGCACAATTGGTGAAGAAGAGCT  
TGCTGATCTACGTCATCAATTTGATGCAATCGATGTGGATAAGAATGGCTCCATCAGCCTTGAGGAAATGAGA  
CAGGCTCTTGCTAAAGATCTCCCATGGAAATTGAAAGAATCTCGTGTCTAGAAATCTTCAAGCAATTGACGT  
CAATACCGATGGCCTTGTGATTTACAGAATTTGTGCGAGCTACATTACACGTGCATCAATTAGAGGAACATG  
ACTCTGTAAAGTGGCAGCAGCGGTCACAGGCAGCTTTTGAGAAATTCGACATAGATAAAGATGGATTTATAAC

TCCAGAGGAACTAAGAATGCACACGGGCTTAAAGGGTTCATTGATCCACTGCTTGAGGAAGCAGATATTGA  
CAAAGATGGTAAGATAAGCTTATCAGAATTCAGAAGACTTCTAAGAACTGCAAGTATTAGTTCAAGACCTCAT  
ATTTAGACCTTCTAGTCCCCAAATTTCCCCAAAGATGTAGATAAGAATGAAAAGTTGGGAAAAGATTGATGAG  
GAGAGAGGGGGATCAAATAACGCAAAAGTCAGTCATCTTTAAGAATTTTTACTTGCTGAGAGACCCTAGTTAC  
TCGTTTGATTGTCTTCAATGCCGGGGCTATACGATAACGAGTATTTTTTTAGGACTGTTAATATGTTTTTATATA  
GATATATAGTTTACCTTGGATCTGCTTGAAAGCTGCTCCAGTTGGTGTGGAATGTATTGTAGTCCTTTATGTTG  
CTGGGGTTTCTTGGTTTGTGCAATGGAAATGGCATATCTGACTACAACTCTTAAAATGAAAAATTTGATGGA  
ATGTATTTCTTGATACCAGTTTGAGTTTGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_949 HQ260923|Litchi chinensis 14-3-3 protein mRNA, complete cds

AATTGGGTGACTGGGACATGTGACAAGTAACGAGAGAATTAATAGTTTATTACATTGAAGATGTCGCCTGCTG  
ATTCTTCACGGGAGGAAAATGTTTACATGGCCAAGTTGGCCGAACAGGCCGAACGATATGAGGAAATGGTAG  
AGTTCATGGAGAAAGTTGCCAAGACTGTGGATGTCGAGGAGCTTACTGTTGAGGAGAGGAATCTCCTCTCCG  
TTGCTTACAAGAATGTCATTGGGGCTCGGAGGGCTTCATGGAGGATTATTTCTCCATTGAGCAGAAGGAAGA  
GAGTCGGGGAAATGAGGACCATGTTTCAATTATCAAGGATTACCGTGGCAAAATCGAGACTGAACTGAGCAA  
GATCTGTGATGGAATTTGAGCCTCCTTGAGTCTCATCTCATTCCATCAGCCTCATCTGCTGAGTCAAAGGTGT  
TTTATCTCAAAATGAAAGGTGATTACCACAGGTACCTGGCTGAGTTTAAGACTGGAGCTGAAAGGAAAGAAG  
CAGCTGAGAGCACATTGTTAGCCTACAAGTCTGCTCAGGATATTGCTCTTGCGGAATTAGCCCCTACTCATCCA  
ATTAGGCTAGGTCTTGCTCTTAACCTCTCAGTGTTTTATTATGAGATCCTTAATTCGCCAGATCGAGCTTGCAAT  
TTGGCAAAGCAGGCTTTTGACGAAGCAATTTCTGAGCTTGACACATTGGGTGAAGAATCATACAAGGATAGC  
ACCTTGATCATGCAACTCCTCCGAGACAACCTGACTCTTTGGACTTCTGATATCGGGGATGAAGCTGGCGATG  
AGATTAAGGAAGCATCAAAACGTGAATCAGGGGAGGGACATGGACAGTAGTTTGCAGTTGTTGAGTTGATAC  
TTGATAGGAGTTGTACTGTGTACTTTTTCTTTTTTTCTCCCTTTTCTTTTTTTCCCTGTTCTTTAAAAAAA  
AATGTGGCGACCCTGTCTTTAGTGTTGTTAGTGCTACTTGGGTTTGGTAGTTCTGAATGAAATGTCTTGGTTGC  
TGGCTTTGGCTTCTGAGAGTATGACCTCACTTGAACGGGAGACTGTTCTAGAACAGGCTGTACCCTTGTGTCTT  
TGAGTGCTAAAGATCTAGAAGCATTGTTAGGGCCTCTGGATACTCCACAAGAGTATAATGTGTTTTATTTATGA  
GAAGAATCTGGTGTGTTGATGTTTGAGTGCTATGAGATATGATTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_950 NM\_001065029|Oryza sativa Japonica Group Os06g0702800 (Os06g0702800)  
mRNA, complete cds

CGACTATGGATGCCGGAGAAGCAATTTGAAAGAGATCGAACTCGCTGAGAGCTATCTCGTGTGCGCCATGT  
TCGAGGAAGCAGTAGCCCTATCTTCTCTGTTTTAAAGCGTATTTCTCAACTGGAAAATGGTATTGAAAAAAT  
GAAATGATGGAATCGGCTGGTATGGTTTTAATCAATCTTTGAAGGAACTTGAAGGACATCACAGATACTGA  
ATGAGCTCAGAGTATCATTTTCTCCGTTGCAGCCATCCCTTTTACTGTTCTTTTATTTGGGGCGTGTTTTATTT  
TTCGGAAGGTCTTTCTGATATGCAATCTTTACTAGAAGAGTTCCTTGGCAAGTGGAATTTATTGAATGAGGAA  
GTATATGTTTTTGTGGCTCAAGAAGTATTGATGACAGAGAATGTCATGCTCAGTTGACTGTTGATGAATATCT  
CCAACCTGTTACGTTTACCTCCGATTGTCACAGAGATAGTTTTGAAGGATGTGGATCTTGCTGTTTCTTGGG  
TTGAGAAAGCTGCTTTCCTGAGGGAAAGCGTCAGATACTTTGAGGAGGCCAGACTACCTGCAGTCTAAGA  
AACCGGCCAGTTCGTCACAATCGTCCTCTTCATCTTTGCTTAGAAATGACCATAGAAAACATTTATCTTCTCAG  
AAGGACTTCAAGTATCAAGAGCTTCAGAAACAGCCTTAGACCCTGGATATCATCAAGATGGAGGAAGTGCTA  
ACAGAGAAACAGTTCTAAGACTACATAAACTTACAAAACCATCTTTTTGGCCTTTCGTACCATAACATTGAAG  
TTTGGAAGTTTTCGTCTCGTCGTATCCACCAGAAAGATTGTGCTTAGCTGTTTTCTAGTTCCAATTTATTATCTG  
CTGCGAAGGAACTAACCGCTGTGAAGAGGATGGCTCAGAAACAAGGTTCTGTCATGAAGAAGGCACTGGT  
AGACTTGTGGCAGCTTGCAATTTTCATATCAAGTAAACCCCTTAGCTATTGCTCAACCCCTTCTGGAGCAGCTC

GTGGAGTCTCATGATTCTTTAAAATCGTATTTGTTTTCTGTCATTTTCATATATTAAGCAGCATTACAAAGCATT  
TTCTTTAATGGGAATTATGTTCTCTTGCTTCATTGTGCTGCACAACCTGATATACTTTATATCTATATAAAATT  
TATACTAAATTTACCCTTTATGAACTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_951 AY039525|Arabidopsis thaliana AT3g57280/F2809\_130 mRNA, complete cds

ATAGTTCCATCTTACATCCATCTTCTGAATTTTCGCTCGATTTTCTTGCTCATACTTCATACCCTTTCTTCTTCTA  
TCCTTATCCGATCTAACATGGCGGCGACAGCGTCTCAATTTTCGTGTTTGTGCGCCATCAACCGTGGCTTCGC  
CTGCAACACCGCCGACCATTCTTAGCTTCTCGTCCTTCTCTTCCCTAAGTTTTCGATTGTTATGAGCGTTG  
AAGGATCTGGTTCGAATGCAGCTGATCCAGACTAAACAACTTAAGCTATGCCACTGATGCATCAGAATC  
TCAAGTTGCCACAACTCATATCCGGATGTTGAAAAGTCGCCCAGTGTGAAATTTAGAGAATGAGAAGCTG  
CAGGAGCCTGGTGGTGGTGGTGTGCTGTGCCAAAACGAACAGCAAAAATTCACGATTTCTGTTTTGGCATTCTT  
TTGGTGGAATTGTTCTAAGTGGTGGCCTTATTAGCTTCATTTTCTCAAGAAACCCGTCTGCATTACAGCAGTTTG  
GTGTCTGGAGGTGCTTTGCTGGCCTTGAGCACCTTAAGTTTGAAAATCTGGAGCCAGGGGAAGTCCAGTTTTC  
CATTCACTTAGGACAAGCAGTATTTACGGCCTCGTTTTCTGGAATAGTTATCAGACGTACTTATTGACCAAA  
AACGTGTTTCCAACAGCCATTTATGCTGCCCTCAGTGCTGCAATGCTATGCTTCTACTTATATGTCGTAATTTCT  
GGAGGAAACCCACCGCCGAAAAAATTGAAGTCTTCTCCATCTGCTGCTTAATGAAATCAAATCCTATACATAG  
TTTGATTACACTTGAAAAATAATTTACTTTTTGATGTAGCGCTGAGTTAAGTTAGGAGGGAAAAGAAGGCCT  
CGTTTTCATTTGTTGGGAATGGTAAAATACTAAATGAAGCTTAGGAGGTGGGAAAAATGCACTTGAATAGTTA  
TAATCTGTGAGGAGCTAGGCGGTAGAATTCATGAAGAGGGAGTGTGTTACTTGAAGGCAACGAGAGCTTGG  
ATTTTGCTTTGAACATAATGGTTATGAGGTTTGATTTATAGAAATAACTTGTTAGTAGTTGAGTGTTCGTT  
GGGGTAAACGACCCTTTGATAAATAGTTGAAGATAGTTATTATTGCTATTAGATGAGGGGATTATTACTGGAA  
GACTTCTGTAATAATTTAGATGGTTATATAATATATGGTGAATCTTTGAAGGTACAA

>trans\_c\_952 AY143851|Arabidopsis thaliana At5g64200/MSJ1\_4 mRNA, complete cds

AAGGAGTTTTCTTCTCCATCTATCTTCTAACCCTAACCCTAATCTTCTTCTCTTCTTGCACCAACATGTCTCA  
CTTTGGAAGGTCTGGTCTCCAGATATTACAGATACCTATTCGCTTCTCGTGCTCAACATCACCTCCGTACCAC  
TGCGGATGACCTCTACCCGCTTTTCCATAAGTATGGGAAGGTTGTTGATATCTTCATCCCCAGAGATCGAAGG  
ACTGGTGATTCCAGAGGCTTTGCATTTGTGCGTTACAAATATGCAGATGAAGCCCAGAAAGCAGTGGAGAGG  
CTAGATGGCACTATGGTTGATGGACGAGAGATAACTGTTCAAGTTTGCAAATATGGTCCAAATGCAGAAAGG  
ATTCACAAAGGGAAGATCAGCGAAGCATTCCCAAGTCAAGATACAGGTCTAGAAGTCGAAGTCCAAGGAGA  
CGATATCGGGATGATTACAGAGACAGGGATTATAGGAGGAGAAGTAGAAGCAGAAGCAGAAGCCGAAGCTT  
GGACAGGAGTGATCGTGATAGGCGTGGTAGAGAAAGGGAGAGGGGAAAGAGACCATCGCAGACGAAGCCGG  
AGCATTAGTCCTAGGCGACCTAGTCCTGATTACTCCAAGGGAAGGGGAAGAGGACGCTATGATGATGAGCGA  
AGAAGTCGTAGTGTGAGCCGTAGCCGAAGTCGTGGCCGTAGTCGTTCTGTGGACAGTGGTTCTCTGGTAGA  
CGAAGCCCTAGTCCAAGAAGGAGTCCATCTCCTCGAAGGAGCCTCTCTCCTCGTAGGAGTCCATCTCCAGGG  
ATGAAAGTCTGAAAGAAATGGTAATGGCGGTGGAAGGTCTCCAATTCTAGGAGTGTTCACAAAGAGGGC  
GACCTGCCGACTCACGAAGTCCATCCCCACAAAATTGAGATGATAAGTGAATACGGATGGGAGGAGAACTAT  
GGACATAACCGAACAGGCAGGAATGAATGCTTTGAGGACTTGTTGATTAAAAATGTTATCAGACTATAAATTC  
TAGTTTTGGTAGGACTTTCTATGGTGTTCATTCTCATATATTTAGCTTCATGTTCCCTATCTACTATCTTGTATC  
AGTTTGATACTTTTTACCTCTGCAGTCTGTATCCTTATTTCCAGTCATAGGTTATAGCTTCGGGACATGTTCTTCC  
TTTATATTTCTGCTTCTACTCTGTAGTACCAGTACTATGTTTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_953 NM\_127927|Arabidopsis thaliana sks16 (SKU5 Similar 16); copper ion binding /  
pectinesterase (sks16) mRNA, complete cds

ATTGGATATTCATCCTGGCCAATCTGCTGCAGTTTTGGTGTCTCTTAACAGATTACCACGATTATTACTTTGTGG  
TTTCTTCACGTTTTACTAAACCTATTCTTACTACTGTTGGTATCCTTAGATATCAAGGCTCTTCCATTCTCTTCC  
AAGCCCTTGCCCATTGGACCTACTTACCAACTCCATTGGTCCATGAAGCAAGCTCGAACCATCAGATTAAACTT  
GACAGCAAATGCAGCAAGGCCGAACCCACAAGGATCATTCCACTATGGAAACATAACAGTAGTGAGAAGACT  
CATATTAATAAATTCATTGACCAAGATCAAAGGAGCTGTTGCTGTGCGGTGAACAATGTATCATATGTTGATC  
CACCAACACCTTTAAAGTTGGCTGATTGGTTCAAATTTGGTGGTGTGTTTTGACTTCAAACCTTCACTGATATCC  
CAACTCCAAGACCTGCAATGCTTGGAGTCTCTGTTGTTAACATTACCCTTCATGATTTTGTGGAAATTGTGTTCC  
AAAACGATGAAAATACTGTCCAAGCTTGGCATTGTTGATGGAACAAGTTTCTATGTTGTTGGATATGTTTCTGGT  
GATTGGAGTTATAAAATGAGGAAACGTTATAACTTAGTGGATGGTATATCAAGACACACTGTTTCAGGTATATC  
CAAGATCATGGACAGCAATATTAGTATCATTAGACAACAAGGGGATGTGGAACCTTGAGATCTACAATATGGT  
GGAGAAATTATCTTGGTCAACAGTTATACGTCAGAGTTTGGAAATGATGAAAAGAGTTTATATACTGAGGCAGA  
TATCCACTCAATGCTCTCAAGTGTGGCAAAGCATCCAAGTATAAATATATTCATACACACACATATATAGTTG  
TTTGAACAATATTTGTAATTTGTTATATATTCATTTTCTCATCTGTTGAAAAGGTTTGTGTTGTGATAATTTTATCT  
TTAAGTAGAGGTTTAATTTAGTCATGAGTCACAACAGGATGACTGATAAGAAAGGAAGGAGGAGGGGAAGG  
AGAAACAGAAGAGGAAGAAAATTTGAAAGGTTGAAGACATCCTGCAGAGAGAAATGAGAGGGTTAGTTCTA  
CTTTAATTTGTTATTATACTTAATCACTGTATTTTCTATGTTGTAATAAATCCTCATTTCACCTGTTTCAGTAGTAA  
AGTTTCTAATAATTTGTCATTGTTTCTTAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_954 AC069558|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T5G13 From  
Chromosome IV, complete sequence

TGTCTTCAGTTTCCAATCCAAACCTATTTTTTCTCATGGAGAAGAAGACACAGAGCTGTAGAAGAAGCCAAT  
CCAATAGCTCGGCTCGCGCAAAGGTATTCGGGACCAACTCTCTCAGCTAAGTGAGGACGATGCCACGCGATT  
AGTCGGTGGAATAGTTGAAAAAGGTGTCTCCGACTCCGAGCAAAGCACACCCTTTTTCTACCCGCTCCCAGA  
CCTTCCGTTTTGCCGTTCCCGGTGCTCGGCATCGGTCTCACGGTCCGCATTGGGAATCAGTAACTAGTAAAA  
GGGTGGGGATAATATCAAAGCTGACAGGGGGGAGGATGGGGAAGAAGATGAAACAATGATGGTGGCTGAC  
TCTATAGCAAATTTGCGAATCCAATACAGAGGAAAAAGAAAAGTGCTTAGCAGACGCTGAAGGGTATCTAC  
AACCAATTGAGGATAACGAAGCCATTTTGAAGCTTATGTGAAATCATGGGTTTCAGGTGCCCTTGACAGATC  
TGCAAGTCGAGGTTCACTAGCTTACTTACTATCTCTGCACCACCTCTCATCTACATATTCCATTCTTACCCAGTC  
AACAACTTGTTGCTTCGGAACAAGCTCTCAAGGTCTCTTTGCGAGACTGCTCCCAAAGCATCACCGCAAGG  
AAATGATGACGAATCTTATCTTATATACCAACCATCAACCCATCTTATTGCTGGACAAAAGGGTGTGGCACA  
TCAATTGGTATGAGCGATGTAGAAAAAGGCTTGAAGTGTGAAAGGAGCTTGCGAAAAGAATTCCTCTCTTT  
TGACAGTAGTTGAAGAGCTCGGTTCTTCTGCAAAAAGTGAAGTGCCTGCAATGTGTAATATATAGAGAAGTGA  
AGAGATTGTGATTAAGAAGTGAAGAGATTGTGATGGAAATCTAGGCAATGGAGGATTGTACGGGATGATA  
TATCCCATCTATCCCTTCTCAAACCTCAACTACAGGCAGCATACAATTTGATCCTTTCATGGGGAAGTTATGAG  
GTTTGTACATGAATTTTGTGCTGTTTAACTGAAATGGTACAAAAGAAATATCATATCTTTAACCATGGCCAA  
CAAGTGCCTTAACCTTTTTACTAAAACAGTTTTTCATCACTTCATTCGTTATTGACGTGCAAGTTTATTTGATTAA  
GAATTTGCAACACAATGAAAGGAATATTAGTGATCTGGGATTGAGTTGAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_955 NM\_114632|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein  
(AT3G47640) mRNA, complete cds

ATTCATCCAATGGTGTCTCTCTTTGTTTTCTTATTGTTTTCTTCATTTTCTCACTTGGGTCTGTTTGTTTTTCT  
TCAATTTTCCATCCAATATGCCTCTTGCTGACTTCTCACTTTGAAAATGTTGGAAATTTCAATTTTTTTGTAAC  
GCAAATGCCCTTTTCTTTTATCTTGAGTGTGGAGTAGCAATTACCACTCATATGATGATCTAACGTGTGCTTTGT  
ATAATTTCTGCGTCGTTTGAAATGAAAAAAGGATTTTTTTGTTACGCTCTAAGTTTACATCGTTTTTGCTTT

GT TT TGATTATTAAGATATAGTGGTGGGGGTTATGGTAATTGCAGAATTCTGGCATTTCATTTGGTTTCACTTG  
CTGTTGAAGATCATGGTTTCTGAGGCTCCTTCGAAACCGGTTGTTGAAACTGATGCTTCGGTATCTAGGAATTG  
TCCTCCTGGTAAAAAGAATCAGGTGAAAGTTCCAAAGAAAATTCACAAGGCGGAGAGGGAGAAAGTTGAAGC  
GAGAGCATTTAAACGATCTCTTCCTTGACCTTGCAAATGCACCTGCTATTCTCATACTTGGAATGGTCATCTGCA  
GAGCTGACAGAACCGAATAACGGGAAGGCATCTATATTGTCTGAAGCAAGTCGGCTGCTAAAAGACTTGTTT  
GGTCAGATTGAGTGCCTTAGAAAGGAGCATGCATCGTTGTTGTCAGAATCCCGATATGTTGACATTGAGAAGA  
ATGAGCTGCAAGAAGAGACTTCTGCTTTAGCATCTCAGATCGAGAAATTACAAAGTGAGTTACAATCAAGGGC  
TGTACATTCTAAACCCGACTTAAATATCACCCACCTTCAGAGTTTCCACAACAAGGGACGACAGTACAACATT  
TCTCGGGGGAATGCCTTGGATTGCCTGTTATGGAACCTTCATTGCAGCAAACGCATGCCGTTTTATCGTTCCC  
GTTTCGGCCAGATCTCCCATCTTATCCAGGAACGGATGCAACTCATGCCCAATAATGCCTACTTCCCATGTAAG  
CAAACCACATGCCAGATATCCAACACCAGCAGATTCTTGGCCTGCTGGACTTCTCAAATTGTCACAAACAACAG  
AAGCAAATAAAGAAGTTTTAGCCATTGGTTGCAAGAACATTGCAGATATGGGAGAACGAAGTTATGATAGAA  
GTGAGAGCTGATTGATGTAGTGACCTCTTTTGTCTTTATTAAAACAGATGCC

>trans\_c\_956 NM\_105529|Arabidopsis thaliana agenet domain-containing protein / bromo-adjacent homology (BAH) domain-containing protein (AT1G68580) mRNA, complete cds

GGTCAAGGTGCAATATCACAATCTTCAGGATGCTGATGATGAATCTACCAAGCTTGGAATGGCTTTCAACA  
TCAAAAGTTGCAGCTGCTGATCAATTGGGTCTGCGCATCAATGGAAGATTGGTTATTCGTCCACATCCTAGTAA  
GGGTAGCAATGCTCCCTTAATTTACAACGTTGGGGCAGTTGTTGATGTATGGCGGCATGATGGTTGGTGGGA  
AGGAATTATAGTTCAGAAGGAATCTGATGACAAAGTTCGCGATTACTTGCCAGGTTTGTATCTCTTGGAATGAA  
AAATGTTTTACATAAAAAATCCTCTTCTCACTACCCATGTTCTCTCAATTCTGATAATTTGTTTGAAGTTTGA  
TACGTACATTCAGGTGAAAAGCAAGAATTGGTTCTTGGCTCAGACGACTTGAGGCATTCTCAAGAATGGTTAG  
GAAACCGGTGGATGCATATGCAAGAAAGGCCAGATATCGCAATGTCAATTGTGTCTCGCATTTCAAATGATGG  
CCTTCCCGATAAGGTGTCAACCATGTCAAGCCAAGTTGCTCTTTGTGAGCGGAAACAACCTGGGGGAAGGTGG  
AAGTCAACCAAGTGAAGTTCGGTCTAACTATGTTGTTGACAAGGCTAAAGAATCATGCACGGTTCCAGATCTTT  
CCAAGGATGGTTTGCTCACCAAATTGCGGTGGACAGGTTTCAAGAAAAGAAGCCAACCCAGTAGCAGCAGTT  
CGGGTAAATCCTTTCCCTTCCCAATAGCTTCTTCCAGTCCTTGTGAAAGTAGTTTTATGATTCCAAGCTCAATGA  
AAATGGATCATGATAACTGCAAGTACATGGGGGATTCTTTGTTCAATTCATCAGTTGTGCCACCTCTCTCAAGC  
TTGGTAATGTCGAGATGATTTGATTTTGGGGGTAGGAGCCGCTGTGGGATTGTGCCTTTTTTTCTTTCTTCTTT  
TTGATCTTTTACTTTGTTAACAAGTTCAATTGATTCTAGTTTAAATATAGAGTTGTGCATCTATTGGATGCTTTCC  
TTTGATTTTTATTTATTTTTTCACTTTTAGCTAACCGCTGCTTTTGTAAATTTGGTAGCTTAGAATGTTAACCGTA  
GGGGAATTCAGTCTTGTGTCCAAATCTCTCTATCTTAATGCTATTTTATGTGTATATGAAAATATAACCTAACGG  
CATCGAAAAGCTCGTCCTTCAGAAAAA

>trans\_c\_957 XM\_002877910|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata reticulon family protein, mRNA

ATCAGAGGATTATACAAAAAACATCCTCTCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTTTGTAACAGTAAAAA  
AAGGAAAAAGGAAATGAAGGTCAATACCAATTCCAATGGGGAAATGAAGAAGGAGAGGAATGAAAAGGCA  
CGAGGGGCATGGCGCTTTTGACCTGTCAGCTGGCCATTTCAATTTCTTACCATTCCAATAGTCTGCCTCTCAA  
CACACTGAGTGGACAACAAATAAAAGTTAAACACACAACTTCTGTTTTCTTTTCTGTTGGCTGGCTGCTTC  
AGACCTCTCTGTTTCTGTTTCTTTGGGGTATTTTTGAAATCAAGATCCTCTCTTTTCAATTCTTTTGATGGGTCC  
TCCGATCGTTTATTTGTAGGCAGCGAACCTTCATGAAATTGTTGGCGGCGGTATTGTTGCAGATGTAATTCT  
TTGGAGACGGAAGAATCTAACTGCGGGGATATTGTTAATAACGCTGGCGACTTGGCTGGTGTGTTGAGAGATG  
TGGTTACACCTTTTGTCTTTAATTTCCAGTGTTCTACTTCTTCTGTTACCATTATTTTTCTCTGGGCCAAATCTG  
CTTCATTCTCAATAGACCAGCGCCTCTCTCTGAGTTGTATCTCTCAGAAGATATGGTAAACGAAGCTGCA

TCTTTCATCCGTTCCCATGTGAATACTTTGCTGTCTGTTTCACAAGATATAGCCATGGGAAAGGACCCCAAATT  
GTTCTTCAAAGTAGCTGCTTGCCTGTGGCTGATCTCTGTTATCAGTGGCTTGAAGTATATTACTTTGGGTTA  
CACCAGCCTTCTACTCGTGCTTACAATCCCCGATTGTATGAAAAGTATGAAGATTATGTAGATGAACATGCCA  
TATTGATGTACGGAAAATTGTATCAGTTCTATGTGAAATTGGATGAGATGCGAGTTCTGACATACCAACAATG  
GATTTTGGAGAAAGAAAACTGAGCTGATCAGCAATCTTCTTGTTCATGGCTTCCTCTCTCTCTCTCTGTCT  
CTCTCGCTCTTCTTCTTGTTCATTTTGGATGTGTTTATGGGGTCTTTACACCCACTTTGGCTAATGGCTAGCA  
CCTCATGAGTGACAGAAGTGTGAGAGAAATGATCGTATTTTGTTCATAACTTTGTTTTATTCTCTGATTGCTG  
CTAGAGAAATGTATTTAGAAACGGCATATTAAGAATTTTTGAATCTTT

>trans\_c\_958 NM\_001055397|Oryza sativa Japonica Group Os03g0131300 (Os03g0131300)  
mRNA, complete cds

AGGAAATGCTGCTCCTAATACAAATCCACTTCCTAATCCCTGGGGTAATAATGCTAGTGGAGGAACTCAGACC  
ACAACCACACAGCCAACTCCAGCTGGTGATACAAGGGCTCCTGGTATTGGGGGTTTAGGAGGGGCTGGTTGT  
ACAAATGTAGATCGTTTTGCTGGTGCTGTGCCAGACCCAGCTCAGTTGAATCAGTTTCTGCAAAACCCAGCTAT  
TTCACAGATGATGCAGAGTCTGCTCTCCAATCCTCAGTATATGAATCAAATCCTCAATCTCAACCCACAGCTAC  
GAAGTATGGTTGATATGAATCCTCAATTAAGAGAGATGATGCAAAATCCAGAGTTTGTTCGCCAGTTAACTAA  
TCCTGAGATGATGCAGCAAATGCTATCAATTCAGCAGACCTCCTCTCTACCTTAAATCGACAGCCATCATCTC  
AAGATGCTGCTCAAACAGGTGCTGCAGCAGGTGTCCCTAACACTGCTGGATTGGAGATGTTAATGAACCTGTT  
TGGTGGACTCGGTGCTGGCGGTTTGGCTGCTCCACACAATCCCAATGTACCCCAAGAAGTGTACGCAACT  
CAACTTTCACAGCTCCAAGAGATGGGTTTCTTCGACACTCAAGAGAACATCAGAGCTCTACGTGCTACTCCGG  
GAACGTCCATGCTGCTGTGGAGCGACTGCTGGGAAATCTTGGGCAGTAAAATTGATAAATTACCTACTTTTCTT  
CTTTTAAAAAATTTAATTGGGATTTGTGATGCAGACATGTACTAGTGAAACTATAGATCTACAGACACAAACA  
GCTGCACATGGCAGAGACATTACAGTTATGTTTGAATCTGAATAATTGAAAGTTCTTCCCATGAAATAGA  
GATATATATAGATTTGTGGATATGTTATGGATATTACTATATCAAATTTGCTGCTCCCTTCCCAATTTTCATCAT  
CCATCCCTCCGGAAGACTTGTAATACATTTTAATGTTTGATCAGCAGCAGTCGTTAAATTCTTATCTTTTTTC  
TTCAAATCTTATCTTTTTTCTTCTTTTTTGGAGACATGTTTATGCTGATTGTGTTGTCTTTGTCTCTCTAA  
TTCTTTGATGAAATTGGTGAGTTTGGAGTGTGGATTTTGGTATTATTGCTCTCATCTTCTGTGTAATTAATG  
GACAGAATCTCCCATTTCTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_959 FN430418|Prunus persica mRNA for epoxide hydrolase 3 (eh3 gene)

ATTGAGGCTTCATTTGAAAGAACTCTCACCTTTTGTGAATCAAGAAGTTCTGAATGGATAAATTTGAGCACAAA  
TTCGTGGAAGTCAAAGGCGGATTGAAAATCCACGTAGCGGAGATCGGAACCGGTTCTGAATGTCGTGGTTTTT  
CTGCACGGTTTTCCGGAGATTTGGTACTCATGGCGCCACCAGATGATTGCTGTGGCCAACGCTGGATTCCGAG  
CAATTGGTCTCGATTACAGAGGATACGGACTCTCCGATCCTCCAGCCGACCCCTCCAAGGCTACTTACAGCGAT  
CTCATCACCGACCTCCTTGAAGTTCTTGACTCTCTCGATATCTCCAAGGTGTTTCTTGTGGGGAAAGATTTGG  
AGCAATGCCAGCTTATTACTTTGCTCTCAAACACCCAGAGAGGGCATTAGGAGTTGTGACATTGGGAGTGCCA  
TTCATGCCTCCTGGAAGACGTATCAACTTTATAGACTACCTCCCTGAAGGCTTCTACATATCAAGATGGCAGAA  
ACCTGGACGAGCTGAGGCCGATTTTAGTCGCTTTGATGCAAAAACAGTTGTTAGGAATGTTTATATACTTTTCT  
CTAGAAGTGAAATCCCAATAGCTCAAGAAAATCAGGAGATAATGGACTTGGTGGATTCATCTACTCCTCTGCC  
TCCTTGGTTTACTGAGGAAGATCTTGACGCTTATGGAGAGCTCTATGAGAAGTCTGGATTTCAAAGTGCATTAC  
AAGTTCTTACCGGTCACTAAGTGAAGATTGGGGAGTGGGAAGATCCAAAAGTGGAAATTCAGCTCTTTTTGT  
AATGGGTGAAAAAGATTATGTTCTCAAATTTCCAGGAATGGAGGAGTATGTAAGAAGTGAATGGTGAAATA  
CTATGTTCCAAAATTGGAGGTCATCTTTCTACCAGAAGGATCTCACTTTGTTCAAGAGCAATCCCCTGAAGAAG  
TTAATCAGTTGCTACTGAATTTTCTTGCCAAGCATACATGATTAGGACATCCCAACACAGCTGAGGTTAAATCT



AAATAAACCTTATACTATCATGTACTTTTGTGGTTTTGGATTCCAAAAACATGGCTACAATATGTATTATTGTA  
TCTGATAAGTTAGAAAGCGGACACAATCAATGACTTGTACTTATGAAATGCTCTTGTGGATGCCTATCTAAAGTT  
GCAAGTTTATTTATAAGAAGAGTCTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_960 AB444627|Nicotiana tabacum PEX7 mRNA for peroxin 7, complete cds

AAATAACCGAGAGGGTGAGATCAGACAGAGAGACTTCCTCCTCTATCATTCAACCATGCCCCGTCTTTAAGAC  
TCCCTTCAATGGCTACTCCGTCAAGTTTAGCCCCCTTCTACGAATCCCGCATCGCCGTCGCTACCGCCCAAATTT  
CGGAATCCTCGGCAATGGTCGCCTCCACGTCCTCGATCTCAATCCCGCCGGTCCCATAACCGAACACATCGCCT  
TCGACACCGCCGACGGAGTTTACGACGTCTTGGTCCGAATCTCACGACTCCCTTCTCGTCGCCGCCATCGCC  
GATGGCTCCGTCAAGCTCTACGACCTCGCTCTTCCACCCACTTCTAATCCCATTCGATCCTTCCACGAACATACT  
CGCGAGGTTCACTCTGCTGACTACAACCCCGTTCGTCGCGACTCCTTTTTGACTTCCTCTTGGGACGATACCAG  
CAAGCTCTGGACCCTAGACCGCCCCACCAAGTGTGACAACGTTCAAAGAGCACGCCTATTGCGTCTATTCTCCG  
TCTGGAACCTCGTCACGGCGATGTCTTCGCTTCCGCATCTGGCGATTGTACCGTTTCGATTTGGGATGTGCGA  
GAACCAGGCTCCACTATGATAATTCCGGCTCATGATTTGCAAGTTCTATCTTGCATTGGAATAAGTACGACGA  
TTGTTGTATTGCTACGGCTTCGGTCGATAAATCAATTAGGGTATGGGATGTTAGGAGCTACAGGACCCCGGTG  
TCTGTATTGAATGGCCATGGATATGCAGTTAGGAAAGTGAAATCTCCCTCATCGACAGGGTTTGCTAGCCTC  
ATGCTCCTACGATATGACTGTGTGCTTGTGGGATTACATGCTGGAGGACGCTCTTGTGGAAGATATGATCAT  
CACACTGAATTCGCTGTAGGAATAGATATGAGTGTGCTTGTGAGGGCCTGCTTGCCAGCACTGGATGGGAT  
GAGCTTGTTTATGTATGGCAGCATGGGACGGACCCAAGAGCCCTTAAGAAAAGGAAAGATTTTGCTACTTCC  
TTTAAATTTATGAATTTTTCATGTTACAGTTCATAGTTTAAAGTGAATAAGCCATTTTAGTTACAAAAAAGA  
AGAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAGAATGAGCTACTTGTGGCAGAATATATTTTCGTCAAATTGAACTGAG  
TGTGTTATAATAGTCATTTGCTTTGTTCAAGATTGAATATAAACTTATTTTTCTC

>trans\_c\_961 GU132851|Glycine max cultivar Essex RIN4a protein (RIN4a) mRNA, complete cds

ATTAATTTTCCATTATGCTTCTGGTCCTACTTCGAAATCTAAGCTTAATTAAGTCAATAATATAATGGAAGTTCCG  
ATTTTCTTTATAGTATTCTTCGCGTTTTTCTTCCATTTTACGCTTTTTTTTCTATTGTGCTCAATTTTATC  
GTTTTGTTCTAACTTTTGCAGTGTGATGGAACCTGGAACAAGTTAAATAGGTTACTCCTTTTCGTTTCAAAGT  
ACTGTTTGAGGATTTAGGCCTTGTCTGAAGGCTAATGGCTCGGAGTTCACAAGTACCAAATTTGGTAAGTGG  
GATGATGGGGATGATGTCCCGTATACAACCTATTTTGACAATGCGACAAAGGCTAAATTCGAGAGGATGAAT  
CCAAATGATCCTCTTCTCACCGTGAGGAGATTCAGAAACAGTGAGGTCAAATATGAGAATCAAAAAATCA  
AAGAGGGTGGTGTGTGAGGAGGCAACCTGAATCTCCATTACACCATGATGCTCCGGAAATGTCTGGTCGGG  
ATTATAATGGTATAAAGTCTGCAAAGAGACGGGGTCAACAATTATCAGGGCCAAAGCACACACAAGAAGATT  
TGAGCATGGAAGATGGCAACATGAAGAAACAACCTTGTTCCCTTTGGACCATCGATCAATCGGTCTAGGTTAG  
CTTTAACTCGCCTCTTCATCAACGTCAAGGTAACAACAGCTCAACCAGTAATTCATCGAAAGGGACTATGAGA  
AATGGCACGGTTTCTGAATGCAGCATAGAAAATTCTCCTCTCCATTGCGACAGCATCCAAGGACTGAACCAA  
AAACTGCTGTACCATCTTCACCATTACGGGATAGAAGGGGCTCAAGTTCGCCTAGAGAAAGTAGTCATGAAG  
GTTTAGCTCCCTTACTCTGGGAAGATCACGTCTACGATCTGTTCCCTCGGGGCAATGAAACCCCTGATCGTGGT  
GCCACAGTCCCAAGATTTGGTGAATGGGATGAAAGCGATCCATCATCATCTGAGAACTACACTAATATTTTAC  
CAGAGTGCGCGAGGAGCGACAACTGAAGACGGAAGTTTGCCAGCTGGGACCAATGTTTCCAGTATTCGTAG  
TCGTTCTGGTGTGAAAACCTCAAAGAGATGTTGCTGTTTTTCATGGGGAAAATGACTGCAAGAAAGCATAGAA  
TATGTTTTAGCTTTTTCTAGATGGAATGGTATGGGTGGGAATTTGTTGTTTAAATGGA

>trans\_c\_962 AY069896|Arabidopsis thaliana At1g31940/F5M6.6 mRNA, complete cds

>trans\_c\_963 AF134051|Solanum tuberosum fructose-1,6-bisphosphatase precursor, mRNA,  
nuclear gene encoding chloroplast protein, complete cds

>trans\_c\_964 DQ822909|Glycine max MYB transcription factor MYB107 (MYB107) mRNA, complete cds

AGCAACAGCCTCCTCCTCCCACTCCTCTTTTTCTTCTTTTCAAAGTATTAACCCCAACGAAGAACGACAAACT  
GTTCTTCACGAAGTGATCTTCAGATAATCCAAAACGGCGAATCACAATGGGAAACCAGAAGCAAAAGTGGA  
CGTCAGAGGAAGAGGACGCACTTTGGCTGGAGTCAATAAGCACGGTCTTGAAAGTGGAAGAACATTCTTA  
AAGATCCTGATTCGCTCCCTCTCTCACTCATCGCTCTAACATTGATCTCAAGGATAAATGGCGTAATTTGAGTG

TCAGCACTGCTTCACAAGGCTCAAAAGAGAAGTCTAGGGCAGCTCCTAAAGCAAAAGCCATCGTTGCCGCTAT  
TTCTAACAACCAACCTCTGCTCCTGCTAAGCCCAATGCATCTGCTGAGGCTGCAGGTGATGATACACCAAACA  
ACAGCACACAAGATGGGAAAAATGTCCCAAGGTATTATTCAATGATTTTTGAAGCCCTTCAACCATAAAAGA  
TTCTAATGGATGTGACATAGGTACAATTGTCAACTTTATTGAGCAAAGGCATGAGGTGCCACAAAACCTTTAGA  
AGGCAATTGAGCTCAAAGTTGAGGAGGCTCGTTTCACAAGGGAAGCTTGAAAAGGTTGAGAATTGCTACAGA  
GTAAAGAAAGACAATTCATTGGCAGTTAAACACCTACCCCTAAACAAAAAGATGTCAGGCAACGGATATCGC  
AATACAACACTACAGGAGGGGTGATGCCATCAGCAGAGACGGTGGAAGATGCAGCGAAAGCGGCTGCATAC  
AAAGTTGCTGATGCAGAGAACAAATCTTTCTGGCTGCTGAAGCTGTGAAGGAGGCAGAGAGAATTGCAAAG  
ATGGCTGAAGATACAGATTCAATGCTACAGATTATAAAAGAGATGTATGAAAAATGTTCTCGTGGTGAAATTA  
TTCTCTTGGCTTAGATTCACTTGTAAGTTCAATGGCCAATCCCTTTGTTCTTGGTATCCGCATGTAAATCTTCCAC  
TCCAGTGGAATTTTCAGCTTTCAGGCTCCAAATCTACGTTGCCCTGTTTTTTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCT  
TTTTTTTTTTTCGGGACAAATCAAATTAATTTATAGTCGGGTATACACATATTTATCTAAATTTCTTCAAATGAA  
CTTGTGTTTTCCATTGAAATTTGGTTAGACAAGAGTTATAACAAACCAAAGTTCCC

>trans\_c\_965 NM\_001063635 | *Oryza sativa* Japonica Group Os06g0207500 (Os06g0207500)  
mRNA, partial cds

AAGAAACTCTGTAAAGATCAAAGCAATGTGTTGGAAGCTCATGGAAAACAGGTTTTTAGAGGGGAAGCAGC  
TTACTCTTTCATATTCAAGGACTATAACTTCACCGTAGAGTTCTTTGTCTCTCCTTTCCTAGTCCGAGAATGGGA  
GATGCCAGACAAGAATGGTAAACGAAAGAACTCTCCGTCTCGATTGGTTGGGAAGTCGTCTGATCAGTAT  
AAAGAAGCTGATATCATCGTCTTCAACACTGGCCACTGGTGGACTCATGAAAAAAGCTTCAAGAGGGAAAGACT  
ATTACCAAGAAGGGAGCCATGTTTATGAAGAATTGAATGTTCTTGAGGCGTTCGAAAGGCTATAACGACATG  
GGCGAGATGGGTTGATAAGAACATAAATCCAATGAAGTCCATTGTTTTCTTTAGGGGCTACTCTGCATCCCATT  
TCAGCGGAGGACAATGGAAGTCCGGCGGGCAATGTGACAGCGAGATTCAACCAATCAAGAACGAGACATAC  
CTAAGACACTACCCACCAAAGATGGTTGTTTTAGAGAAGGTATTGAAAGGGATGAAAAGCTCATGTCACATATC  
TAAACATAACGAAGATGACAGATTTTCGAAAAGACGGCCACCCTTCCATCTACCGGAAACAAAAGCTAACAGA  
AGAAGAGAGGAGATCGCCATTGAGATTTCAAGACTGCAGCCATTGGTGCCCTCCCGGTGTCCAGATGCTTG  
GAATGAGATTTTATATGCAGAACTATTATTGAAACAACAACAGCAAAAGAGAACATAAAGAGGTACAAAGAA  
AAAGAAAGTACATATTTATTTGGTTGAATTCATATCAAGATTATTTAGAAGATTAGTATTTTTTTTTTTCTTTTTTC  
TTTTTTGGAATCATATAGAATAGATCAAACAAAACAAAGATGAATTCAAAGAATTGATATGAAATTTTTTTTTTC  
TTCTACAATAATTTATGAGAGTAGGAAATAGAAAGAAGTATGTGTTCTTGTTGATCTTAAGGAGATCTTGTTTG  
TGCTGTGAAGAAATTATGTTTCATATAAGATAGTAGAGGGGAAGAGGAAGAAGAGGATATTATAAGAAAGTAT  
CAAATCTTCTATGGTGGTTACCAATTGTAAATTTTTAAATTTATCTCTTTTTTTATTTTTGTTGAAATAATGTATT  
CCCTTATATTATTATAAGTTCTTCTTGAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_966 NM\_102444 | *Arabidopsis thaliana* zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT1G26800) mRNA, complete cds

AAAGCGCATACTTCCCGTGTGTTTTCCACCGGCATCAAATCCATGGGACCGACCTTACCGGCGCCAGGCGG  
TGGTCCGTCCCGTCGGTCACCGTGTCTTCCACCCCTTGAACCTCATCATCATCGTTGTCATCACCATCTTAAAA  
TTTTCTTCCATAATCTTCTCCCTCTTCGCCATGGACGCCTTCTTCTTTCTCCTTTCATATAATACCTTTTTTTTC  
TTTTCTTCAATCCTATTTGATCTCTTCCCTTTCTCTATTTCTCTCTAAACGACCATGTCTGATTCCGATTCTTC  
TCCCTCTCCTTACCGCCACCGCCTCCGCGAACCTTTCTATGCTTCTCCCTTTCTCCTTGGCCTTGCTCGAACC  
ACCACCGGATCCAACCTCAACCAGATCGTCGTTCTCGACCATGCTGCGGAACGGTTGTCGTTTTCGAAGGAC  
ACGTTCTTGACTCTTCTTCTGACTTATCGGAGAAATCTGGGCCCTTGCCGGCGTCCAAGGCTTCGATCGAT  
GCGATGCCAGAGTTGGGGTTACGGAATTGGGGACAGATTGTGCGATTGCTTGGATGGATTTGAAGTCGCC

GAGGAAGCCAGGGAGATGCCGTGTAAACATATGTATCATTCTGATTGTATTGAGAAATGGTTGAATGTTCTGTG  
GAACGTGTCCGGTTTGTCTGGTTCTGTATGCCGGTGGATGATCGGAGAAAGGACGGTGGTGTGGTGGTGGT  
GATGTTGAAGAAGATGAAGATATGGAAGGTGGAGAAAGTGGAGAAAGGACGGGTGGTGTAGTTAATTTGTG  
GGTTAACGATGGTGAACCGATGGATGTTGAGTCGGGATTGGAACATGGATCAGAGGATTCCGATTCAGAATC  
ACAAGATGAAATTATGGTTGAAGTTGATGGCCCATCAACACAAGAACAAGATCCAAGTTCTGAAGATTCTTCT  
TCATTTTCATTTTCGTCTTTTTTCAACTAGTTATTTTTTTCTTTAATTTGATAGGCTTTTCTGGAAATGTCATTGT  
TTGATTATTTACGGCCAATTACTTACTACAAACCCTCAGCTTTAAAAGTCCAAATTTGGCCGTTTCATGAATTTTT  
TTTTTCTTCTTCTGGGATTTGGCAAGTTTTGAAGTTGTAATAATGAATCAGTTCATGAAGTTTGATTATATAT  
GAAAATCCCTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_967 XM\_002878835|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATP-dependent protease La  
domain-containing protein, mRNA

CTTGCTCTAGATCATTTACGACCAAGGATGAGGAGGATGATTCTGCCTCTAATTCAGAGGAAAGCTTTGAACG  
TGAGCTTTTCATTGAGAGAGAGGAAAAATCCACCAAGCAGCAATTGATTCCGGTGAATCTTGAGCGATGAGGA  
GATGTCTGGATCAGAGGCAGAACACCAACATTCGATGTCACGTCTAAATGACTCTGATTCTTTAAGGTCAATG  
CATTCCGATTGCGAGAAGGAAAATGAGAAACCTGCCTCTGACATTGGAAAGAGTTCCACATCAGCTAGGGAA  
TCTAGCGAGATCAAAGAAGTCAAAAGATGCCAAAGAACTCGAGTTTTAATCCATTGCACAGGGTTTCGAAAG  
CATTTTGGCCATATTGGGTTTACTCGATGTATGATTCATATTGTCTTGCTCAAAAAGCTGCAGCTATGTGGAAG  
CAGATAGTGGGGGCACCGAATATGGATGGTTTTGTGAAGAATCCAGACATCTTATCCTTCTATATTGCTAGTA  
AGATTCCAGTTTCTGAATCTACTAGACAGGAGCTCTTGGAGATTTCATGGCATTTCATATAGATTGCGTCGGGA  
AATTGAGTTACTCAAGTCTATTGATATCATCAATGTAAAACTGCAAGACTGTTATAGCCAAGCACAGTGATA  
TGTTGGTGATGCCTAATGAAGGTCCGTTCCGGTGCTTATGTGAACCCCATGGTTATGTGCATGAAATAATGAC  
TCTTTACAGAGCAAATGGCTTAGCACTCAGAGGACGAGCTGAGACAGAATACAGTTGGTTCCCTGGATACGC  
GTGGACAATCTCAATCTGTGCAACTGTGAACTCAATTAGGATGGCTTTTTACTGCCACAAACAGGAATCTGA  
AACCCAGATCGTTTTGGGGAATACGATGTTCCAGCTAGCCGATGCCACACGTTGACACTCGACTTTGGTTAG  
CTTTTTCTAGACTTCTTTCTAGTCTGTAGAGAAAGTTCATGTTTGTATCTGAGAAAACGTACGTAAAAGTGATT  
TGTTCCAATGCTCTGCCCCGAATATAGATATTGACTATATATATATATATATATATTCATATGCGACGTGTAATAA  
ACAGTTTATTGTAATATATTCTATTCAAGCTAGCGGGAGGAATTGCTGGCTCGAACATATTTAGTAATCTAA  
TTAAATGTGTCAAATTTGTCGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_968 NM\_001186425|Oryza sativa Japonica Group Os03g0253800 (Os03g0253800)  
mRNA, complete cds

ATACACATCAATTCTTCATCATCACCTCCTATATTCAAACCAATGGCCAACGGATTATTGAAGTTTACCCACTTC  
ATCTCTCCCTCTTCTCTCCTTCCCCGTCAATGGCACCCTCCTCCTTTTTCTCGTCTCGGCTCTCACGAATTCCT  
CCAGACAGCTGAGGTGATGAGGAGTAGTGGGACGAATGCTTCTAAAAGAGTTGCTGTAAATATCATTGACGA  
AGCAAAGAGGGGTTTACCGGATACTTATGCTACTTCTGTAAGAGAGCTTCTTGGTCCACTGAAGTTTGGCATT  
TCCAAACAATCTGCTGTGTATGTGTGCGATATTCCTAAGGCTGCACTTGAGGCATCCCTGTTTTATCTAGATG  
GCAGAATGTAAGGGCATCTGTTGTCAATTTTTCAACATTAGGTGTCACCAGTAGATGTGATACGAGTGCTAGA  
GGGCCGTGTTTTGCTAGGTTTATGTCATCAAAATCTTCAGAGAAACGTGGACAACTGAATCTGAGAGCAAAA  
AAGAAATATCAACAGTGGAGGATCCATTTGATGCTCCTACATATAATATAACCAGAGAAGCCTGTTACATTTGCC  
GAGGGAGCTTCTACAGTTTTATCATCCTCGCAAGGCTTGAGTGCGAGCAGCTGCTGGATATGCAGTTTTTA  
AGGAGCTTATATTTCAACCAAAAAGAGTATAAGATCTTTGACAAGGCTCTTAAAAGGATTCAAGATGACAGCCA  
GGTTAGAGTAAGAATTGGTTCCCCTATAACTGGCTATGGGCAAGAACTAGAAATCGAGCTGCTCGCCAACGT  
ATCCCTAATAGGGTATGGACTGACGAAGATGGTGTAGAGCGTGTAGAGGTGAACTTTTACATCCGTGGACCG

CATGGAGCTGGGAAAGTTTATACTGAGATGTTCAAGGATCAAGTGGACAAGCAGTGGAAGTTTACATACTTA  
ATCGTCGAGGTGAAATCACCTTCTCCGGCCCAATTGATCCTAGAATCTTATATGCCTGCCTGAATTTTGTGCAC  
AAACCAATTGCTCAAGATTTTGTATTAAATTATAACTGTTCTTAGAATCATCATCTCTTGTTTATAATATTT  
CTCCTTCTCTCGCCCCCATTTAAACTTTGGACTCAGGCTAATTTTTTCAAGTTCAATATTTCTAATCATTACCTC  
CTCTACTCCTAGCGAGAGTTACATTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_969 NM\_001060715 | *Oryza sativa* Japonica Group Os04g0665800 (Os04g0665800)  
mRNA, complete cds

TTCGTAATTCATTGGTTAAGAGGAAAACCTCTTCGGTACGGAAGAAATGCTGCGGATCTCTCCCATCGGACTCA  
GAAGCCGTCTTCTTCACAATTTCCAGCTCTCGAATTGCTGTTGAAGCTCAAACCAACCGTCTCCAATGGCGTCTT  
CACACGCTTCTATCTCTTCACTTTCTTCAATTGCTCCCCCTCGTTCACCGCCGCTTTCTCCCAACATCCTACCTTCC  
TTTCTTCCACACTCCAGATTGCCGTTCAAGTGGCCGTCGCCGAGACTTATTTGCAGACGGCTCTGTAGAGCTAT  
GGTTCAGCAGGCCGCTCAAGGAGCTCCGGCAATTTATGCTAAGGAGATGGAGAGACTCTCTGCTAAAGAATC  
GCTGCTGTTGGCTTTCAAAGATTCTGGAGGATTTGAGGCTTTAGTTACTGGAAAAACAACGGATATGCAGAGA  
ATTGATGTGAACGAGAGGATAACTGGTCTTGAGCGTCTTAATCCAACCTCTCGACCAACGACGTCCCCTTTTCT  
AGAAGGTAGATGGAATTTTGAATGGTTTGGATCTGGAAGCCCAGGACTTGCTGCTACGATAATATTTAGAGA  
TTTCCATCAACTCTGGCTAATTTGTCAAACTGGATGCATTTATCAAAGATGGAAGTCTAGGATCACTGCAAA  
TGTTAAGCTATTAAATTCAATTGAAAGTAAAGTTATTTTGTCCACCAAGTTATCAGTGGAAGGACCCTTACGAT  
TGAAAGAGGAATATATTGAAGGGATAATTGAAACACCTTCTGTTAGTGAACAAGCGGTACCAGTTCAGCTAA  
AAAGCGCATTGTTGGTCAGGTAGTCAACACAGTGCAGCAACTTCCAGTTCCTATCAAAGATGTCATTGCCGGAGG  
GCTAAGAGTTCCTCTAGCTGGATCTTATCAGAGGCTCATGATGATTTCTTATCTTGATGAGGAAATTCTAATTA  
TTAGAGATACTTCTGGGGTGCCTGAAGTTCTTACAAGGCTGGATTCTCCTCCATCTCCCTTGGAGCCAAACACA  
TCAGACTATGAAAGCTAGTGAATCTTTCTTCAATGCAATTCCATTATAATAAATTCAATTTCTCCCTCTTAGATT  
CTTTTGCCTTTTTCATTCCATACACTCCACATTAATGAATGGCATAGCAGTTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_970 NM\_114788 | *Arabidopsis thaliana* ABIL2 (ABL INTERACTOR-LIKE PROTEIN 2) (ABIL2)  
mRNA, complete cds

ATCCCCACTTTTGCTTCAAACAGAACAGGACTTCTCAGCTTCCATTTCCATTTTTTTCTTTTTCTCTTTTAAAA  
CCCAAAACCACAATGCCCTGATTTTCTGGCTTAATATTCGACGTGCTCGCCTTGATGTTTGTCTCTCCCATTTT  
CCTTCAAACGCCGACCACCCTCTTTTTCCCCTTCAAACCTTCCCTTCATACATTTTATTACAGGGGTTTTCTAAA  
TTGTCGTTTTTCTTCTTTCAGTCAAAATCTTTACCAAACCCACTTGGTTTTTGCCTTCTTTGGTTCTATTAC  
CGTGTTTTTCACATTTTGGAGGCTGAAAAATCAGATGGGTTTTCGCCTACTCTCCTGTTTATAGCTTCTTCAACCTC  
TTCAGTTTCATAACAATAGGGACAGACTTAGTAGTTTGTGTTCCAATCTCATTTTCTGGACTGAAACCAATCTT  
GTACAATGCCTATCTCACAAGAAACATCCAATTTTGATGAGATTTCTATGAAGCAGAGTTTGATTTTCTCTGATT  
GTCTCAAGGATTTAAAGAACCTGAGGGCGCAATTATACTCAGCAGCAGAGTATTTTGAAGTCTCATAACAAAA  
TGATGACCAAAAACAGATAGTGGTAGAAACATTGAAAGATTATGCTGTTAAAGCTCTTGTAATACTGTGGAT  
CACTTAGGTTCTGTTACTTTTAAGGTTAATGATCTTTTGGATGAAAAGGTTGATGAAGTCTCTGGAACAGAGTT  
TAGGGTGTGATGATTGAACAGAGGCTAAGAAGCTGTCAAGAGTATATCGATCATGAAGGGCATTCCCAACA  
ATCCTTGGTGATAAATACACCAAAGTATCACAAGCGCTACATATTACCAGTTGGGGAGACCATGAATGGGGGT  
ACCAAACTAAATCCAAGTACCAAGGGTGCAACCTAGATGATGAAGATGAGTGGCACCAATTTAGAAATGCC  
GTCCGAGCAACTATCAGAGAAACGCCACCATCCATTATAAGTAAAGAAAATTCTCCTGTGCCTTCTCAACGAG  
CATCCCCGTCCCCGCAACCTAGAACATTCTCATTACATCTACCATGCCCAAGAAGGAATTAGATAAGCGATCA

GTTTCACCACATCGGTTTCCACTTTTGCGTTCTGGCTCGCTCTCGAGTAGGCCAAAGACACAAGGCTCAAGTCG  
ATCGACTACTCCCCACTCAAGTCGGCCAACCACTCCAAGTAATT

>trans\_c\_971 Y08624|V.unguiculata mRNA for Ted2 protein

TGCTTGCTAAGAACCACCTTACAGTTCCACTGTAACCCCATCGTTTTCAAGCAATTCTTCTACCGAATTCCTCG  
TCACCCGTTTGCTCCTTTGTCACTCATCGCTACCATTGAAGCTCAAGACTGATAATTTTCATTACGAGGGCGATT  
TCTTCGAGAGCAGAATCGTCCGCCTTAGAAATGGTCAAAGCCATAAGGGTTCATGAACCTGGTGGCCCTGAG  
GTTCTCAAATGGGAGGATGTGGAAATTGGAGAGCCAAAGGAGGGTGAGGTTGATTAGAAATAAGGCAAT  
TGGCCTAAATTTTATTGATGTATACTTCAGAAAAGGAGTATACAAGGCTGCTACCATGCCCTTTACTCCAGGCA  
TGGAAGCTGCTGGGGTGGTGATCGCAGTGGGCCCTGGAGTAAACGACAGGAAAAGTTGGGGATCTTGTTGCT  
TATGCTGGAAACCAATGGGCTCATATACCGAAGAACAATACTTCCTGCTGACAAAGTTGTTCCAGTTCTCTCC  
CTCAGTTGATCCTACAATTGCAGCATCTGTCATACTGAAGGGCATGACTGCTCAGTTTCTAGTCCGTCGTTGCT  
ACAAGGTTGAACCAGGTCATATTGCCCTTGTTTCATGCAGCAGCTGGTGGAGTTGGATCCCTGTTGTGTCAATG  
GGCCAACAGTCTTGGTGCCACTGTCAATTGGTACTGTCTCAACCGAAGAGAAGGCAGCTCAAGCCAAGAGGGA  
TGGATGCCATCATGTTATTATCTATACAAAAGAGGACTTTGTTGCTCGTGTTAATGAAATAACTTCTGGAAATG  
GAGTTAATGTTGTTTATGACTCTGTAGGAAAGGATACCTTTCAGGGATCATTGGCATGTCTAAAACTCGTGG  
CTACATGGTGAGTTTTGGACAATCATCAGGTACACCTGACCCAGTTCCACTCTCGGCACTTGACGCGAAATCTC  
TGTTTTTAACAAGGCCTTCCCTCATGCAATATACCACAATCCGGGACGAGCTACTGGAGGCTGCTAAAGAGGT  
ATTCGCAAATGTAGAATCTGGCGCTTACGGGTTTCATGTTAATCGCACATACCCTTTATCTGAAGCTGCACAAG  
CACACTCTGACCTTGAGAGCCGAAAAACAACCTGGGTGAGTTGTGCTTCTCCTTAAAGACTGTCTTTTGAAAT  
GGTGGTTTATGCTGGTGAATGATTGATTATATGAAAAACCATTTCTCTTTATACG

>trans\_c\_972 NM\_105954|Arabidopsis thaliana root hair defective 3 GTP-binding (RHD3) family  
protein (AT1G72960) mRNA, complete cds

TATGGACAGGGAAGGAAGACATACGGGCAATCACCAAAACGGCTCGTTCTGCTTCCCTGAAGCTTCTCTCTGT  
TATGGCTGCTCTTCGTTTGGATGACGATGATTCCGGTGAGATAGACAATACTCTATCATCTTCCTTGCTATGTT  
CAAACAGTAGCAATACAAAAGATAGGAGCATTGTGGCAACTGACCTCTTGCCTCAAGCTCATGGGAAAAAG  
TTTACCATCACAAACGTGATTAGTCCTGTTTCAGTGCAAATCTATATGGCGGCAATTCAAGACAGAGACAGAA  
TACACTGTTTCTCAGGCTATTGCTGCACAGGAAGCCAGCAGACGTAATAACAACCTGGTTGCCCCGCCATGGG  
CAATTGTTGCGATGGTGGTTCTTGGGTTTAATGAATTTATGACCCTTTAAGAAATCCTTTATATTGGGAGTC  
ATTTTTGTTCTCTATTTACTCGCCAAAGCCCTGTGGGTCCAGCTAGATATTTCTGGGCAATTTAGCAATGGTCTT  
CTTCCGGGACTTCTTCGTTGTCTTCTACATTTGTTCTACCGTCATGAATCTTCTTAAAAAATTAGCAGAAGAA  
GGACAAGGAGGACCACAAAGGAATGCAACTACTGAACCTCACAGCCACCCTACCGTGACAACAAAAAGCATT  
CGTAACAACCTCTAGCAATGATTGACATCAACGGCATCATCAGGCGTGACCGGGACAGAGACTGGTGGCGAG  
TACTCCAGTCGCTCAAAAGAAGAGTAAGTTGAAGGAAAGGAGGTAATTATGGATTAATTTCTCCATTGTTGA  
CCCTTTGGTGGCGTCACCAAAAAATATAATTCATGTTTGTTAACACTATTGGGAAGAATGTAAGAAGAGGAAA  
AAAAAAAAGGCTGAAGTTCAGGCTTTAATTTTGTGCTGAGAACCTCATGCTGTGGTTTGGGGTTTTGATAA  
GGGAAAGCCCCTTTATAATGGGTTTTCATATATCAGTATAGTGTTGTTCACTTCATTCTCTGACCCCTTTAGGGT  
TTGAATAGACTAAGAATGTTTTTGTCTTTTTTCTTTTTCTTTTTCTATATTATTGTTTGATTATCTGCTTTTT  
TTTTTGCTTTGATTATGTCTTATGAAAGAAGTTGTAACATTGACTGTGAGTAAATCTTTATCCTTAATTTATA  
GTCTCAGACGTCTCTCCGCAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_973 NM\_129312|Arabidopsis thaliana SLT1 (sodium- and lithium-tolerant 1) (SLT1)  
mRNA, complete cds

TTATATGAATGGTCATTCTCGTCAAGGGGAGCGCCTCTTCCGTTTAGTGTTGATAAAGGTTTTGTTGATCTC  
ACAGAAATGCAGCGTAAGCATTATCGGGGTCTCTCCAATCCTCAGTGTGTTACGGAGTTGAGGTTGTTCCGTC  
TCCTAATTTGATGAGCCTTGACGAAGAAGACAGGAAGAGGTGGGCGGAACTCACAGGCAGGGATTGAATTT  
CACCATCCCTCCTGAGGCAAGTGAAGTTCAGTTCATGGAGAAATCTTCAAATACCGATTTTGAAGTTGAAAGGC  
CTCCCACTCTTAAGAGTGCCTCGAATTCTAATTCTATTCTGAAGAACTGCTCAATGGATCTGTGCTGAATTTAT  
CTACTCAACCATCAAACACAGTAACTGCGATGGGATGGATTTATCACCTGTCAGCAGCAAGAGGAAGAAGG  
ATTTCTTCTCGAACGGCAACGATGATGATTGCTACTTGGCTGTGAATAACCATACGTCTGATCGCATTTCCGAT  
ATGGAGGTCCACCCAACGGAACCACTGGTTGAACGACTTTAGCGGGTAATGAAGAATGCTTATGGGCCA  
GTAACAGCTGCTAAATCGATATACGAGGATGAAGAAGGTTATTTAATCATCATCAGCTTGCCTTTTGTGATCT  
TCCAAGTGTTAAAGTCTCGTGGAGGAACACTCTCACACACGGTATTATAAAAGTATCTTGTGTGAGCACGTG  
GGACTGCCCTTCATCAAGAGACATGATAGAACATTCAAGCTCACAGATCCATTTCCCGAACACTGTCCCCCTGG  
TGAATTTGTGAGGGAGATCCCTCTAGCAACTCGAATTCCTGAAGATGCTAATATAGAAGCATATTACGACGGT  
CCAGGATCTGTCCTTGAGATTATGGTGCCGAGGCTCCGTGTCGGTCCAGAGGAACATGAAGTTCGCGTCTGCC  
GTCGTCCCCATCTCGGGGGTAATGATCTTATGTTAACTTGAGATGTCCCATCTGTTTAGATCAAATAACAGTTG  
TTGCTGGAGGTAGGCATTCATTCCTGTTTACTAACTAAGCTTCATTTAGTGTTCTTTATGGGAAGAGAAT  
GTACTTTTTTTTTTTTTTCTATCTGTTTCTTTGTGATTCTTTGCTCACTAAATTTATGCATCATATTTAGAAATTG  
ATTGCGAAAAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_974 BT029183|Arabidopsis thaliana At4g35910 mRNA, complete cds

GGAAGCGTATACACAATTCGAAAGCTTGCAACGAAGAACATTTGTCGCTCTGAATCTTAAGGCGTTTCAATCT  
CTACCATCTATGGCATGTAATTCCTCAGCCTGCCAGTCCAAGTCTACAGAAATCAACATGATGAACATACAAT  
CGAACAAGATTCACCTCCTTCAAGCAGGCCCGGTACAGCAGCTGTCGGGGAGTCTCGTATCACGAACGACGA  
CAATAGTAATACGAATCTCTGCTTTAAATGCAAGTCCAAGGAACGTATGTCTACCTCCGGAGTAGGAGACGAT  
GGACGGCTTTCAGTGATTGCTTTCGGAGCAACTTGTTTGCTAAGTTCGGGCAGGCTGTAACCTCCAATGCCA  
TGATCTCTCCTTCTGATAAAGTGCTTGTTGCGTTCTCTGGAGGCCCTTGTTCCAGGGCCAAGGGTATTCCTTGC  
CGGCAGATGTACAGTATATTGATGCAAGGTGGGAGGTTCCAGTTGTACTTCCTCTACTTGACTGTCTTGACA  
AGAGCTCAACATGCTTGTCTGATTGATGGTCTAAAGACAGTGGAAGTACCAAAAAGTCCAGTTCTGGCATC  
AATGATCTGGTCTCCTCATTTGTGGCTCTTTGTCAGGTAGAAAATCCTTCTCGTGAGTCTACAATTGTGAGAAC  
AGCTGGCAAGCTTACTCCATTCAATTTAGCAGAATACCAGATTTGAATGAAAGTAATAATGTTCTTTGGCCA  
CAAAAAGGCGCCAAAAGAGAAATAACTTTAAGCATGTAACTCTTATCTTCGGAGTCATTTGTGCTGTCTGT  
AATGGGCCACTTAACACGTCAGATGTGCAAACTCGCCATGCAAGTCAAGTATTTTGGGTGCTTGTTGTTCAA  
GTTGTCAATTTAGATTCTTCCAAGGATTCTTTGTCTCATGAAGTCTTTCTTCACTCTTGCCACCCTCTATGGT  
TGCTCGAGCTACACATGGCAGCCTTGGCAATTCGAATTCGCTAAGGAACAAAATACAGGAGTTCTTACTCTCG  
GATGATGATGCTGAATCGTAAATCAGGAGTTATTTCCCTCAGTTCAACGACCGGTAACAATGCCTTGCATTT  
ATAAATTGAATTGATTGCTATTAGGAACAAGGGTGAATTCAAGATATACTTGACTTCTGCGCGTCCTCATTGTT  
CTTTCTATGGCTATTGGTTGCTATAATGAAGGAAAGGATCAGAAGTCCGCATTG

>trans\_c\_975 NM\_001064731|Oryza sativa Japonica Group Os06g0646000 (Os06g0646000)  
mRNA, complete cds

AAGGAGGAGGAAGAAGAAGAAACAGAGTTCAGAGGAGCTCTCTCTCAATCCATTTTCATGGCGGTAGCAACT  
TTCTTTCTTCTCAAATTCATATAATAACAGCCATTATCTTCTCGCAACATCCAATTCGGAATCCTCTCGTTT  
GTCCACTCCTCGTTCTTCTCTCCACCATTCGAGCAAGCTCGGCTCTCGTTCTTGAGTCGGATTCCGGTACTCA  
ACAAGATCAGAATTCGAAAATTGACGTGTTTTCATGTCCGGTTTGTGTTGAACCATTTGAGAAAAGGTCCGC  
CAGGTTTTAACTTGCCAGCTATTTATAGGTCTGGTTTCAAGTGTAGAAGATGCAATAAGTCATATACCAGCAA

AACATCTTTTATGATCTCACAGTTACTTCTGGAATGAAGGAATATGTTGAAGTCAAACCTGGGGGAACTGAGC  
TGTTTCGGAGTCCACTTGTTTCATATCTGTATGAAAGAGGATGGCGTCAAACTTTAACCAGGTTGTTCCCA  
GGCTCGACGAAGAATTTAAATGGCCATGGAGATTTTAAATCTGTTGAAGGTGGTCTTTTAGTGGATGCAA  
GCTGTGGTAGTGGTTTGTTCAGAAAATTTGCAAATCTGGTTCCTTCTCAGGTGTAATTGCTCTTGATTCT  
CTGAGAATATGCTTCTCAATGTTATGACTTCATTAAGAAGGATGCTACTCTCTTGAACAGTAATCTTGCTCTG  
TGAGGGCAGATATCTCTAGGCTTCCCTTTTCATCAGGATCAGTAGATGCCGTTCTGCTGGAGCAGCCTTGCA  
TGTTGGCCATCTCCTTCAAATGCTATTGCTGAGATCACTCGTATAATGCGGAGTGGTGGAGTATTTGTGGGAA  
CCACTTTTTTGCGGTACACTTCGTCTACTCCCTGGTACCTAAGATTTTAAAGAGAGCAGCGTGGTTTTAGCCAT  
ATGGCTACTTAACGGAGGAAGAAATAGAGGAATTGTGCAAATCCTGCGGTCTGATTAATCAAGCAAAG  
TCCAACGATCTTTCATTATGTTCTCTGCCAGAAGCCTTGAAAGTAAGTTCTCAATCTCATCTACATTATGTTGT  
CTATGTTGAGAAAAAACTTTAAAGAATTATATTGATAAGTAAATACAATACCTTGTAATTTGTTGGAAGTGA  
GAATAATTGATTGAATTGAATATAAATTATATTGAGACGAAAAAA

>trans\_c\_976 AY045637|Arabidopsis thaliana AT3g23280/K14B15\_17 mRNA, complete cds

ATGATTGTCAGAGTCCTCTTGATGTTGCTAGAGCAAAAGGTCATAGCAATGTTGTTCTGACAATCGAGAGTCA  
TATATGTTTGTCTCGGGTGGTTGCGGGAATTCTATGGACCAGGATTTTGGAACTATTGGCTCCTCAACTGG  
TCTCAAGGAAAGTCTGGGCTGTTATTTACCATGTGGGGCGCGGAACCTTTCAAAGCCTTTCAAATTGGAGCT  
TGCAATCTACACAACCTCTACAGGACGCCAAACCTCGTACTGTTGTTCCACTGTGGAAAGCCGATTGAGATCAGT  
CGAAGTTACAGCATTCTGATCCATCAGTTTTGATTGTGGACAACGCTGCAAAACTCGATTGAACTTGCACTCT  
GGCAATGAAAATGACAAGGAACAACCTCAGTGGTTTTGCAATGCATGCAAAGGAATTGCTTCGATGATGCAC  
CCAACATTTATGAGTGGTAACCATGGTCCGGGTGTGTCGGCAACTGCACCACCAGACTCAGAAGATGTGGAG  
CTAGCCATGGCCATTAATGCCTCCATCCAGTCAGTTATCCATGGAAGACCACCTTTCTGACCCCAATCCAAG  
TTCTGAAGCAAGTACATCTAGTAGCCATACAGGTCCCCTTGACAAACAACACATTCTACAAAATTAAGCACTA  
ATGAATCAGAAGTGCATGAAGCTGGCCAGAGCATCACTACAAACGAACATCCTCAAATCCAGAATAATGTCAT  
CCCTCCAGATGCGGTACCTTCAGCCCCATTGGCAGCCGATGAGATTCTGGAGGATGATGCAATCACTATCCTT  
CAATCGATTCAAGTCCAATTGAACTGTCATCTCAACTGCTGATAACGCTCCCTTGCGAGCTGGTGAAGGAAA  
AGATGAAACGAGTTCTTCGTCCTGTGTCATATGCTTGATGCCCCTATTCAAGGAGCCTGCATTCCCTGTGGAC  
ATATGGCTGGGTGTATGAATTGCTTGACCGAAATCAAATCGAAGAAATGGGGATGCCAGTTTGTCTGTGCCA  
AAATTGACCAGGTTGTCAGATTGTATGCTGTATGAGTCCAGAGCGGTGAATAATACTGTGAGTACACTCTTTA  
AATGTACAGATCCTGTTTATATAATTTGAACATATATAAATCAATGTGATATCTGATTGTGTGGACACAAAAG  
TGATAATGTAATTTGAAAAAATTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_977 NM\_130087|Arabidopsis thaliana MAP1A (METHIONINE AMINOPEPTIDASE 1A);  
aminopeptidase/ metalloexopeptidase (MAP1A) mRNA, complete cds

ATTCGCTATATTTTCAATCGTTCTGTTGATTAATTGAAAGTTCTCGATTCATATTTCTTGCCGGCGGCGGAAG  
AGGACGGAGGAGGATCATTCCGTTACTGGTTCGATGGCCGGTGGTTCCGATACGGCCGAACTGTTACCTTA  
ACTTGCGCCAGATGCGGCAACCTTCCCATCTTCAGTGTCAAAGTGTATGGATCTGAAGCTTCCTCGTGAGG  
GTGCTGCTTTCTGTTCTCAAGATTGTTTCAAGGCCTCTTGGAGCACTCACAAGCAGTACATTTAAAGCAAAA  
CTGTCCTCAATAGGGACTGGTAATTCTGGGGAACATAATTGAGATTTTGCAACGAAGGCTGGTTATATTGCTT  
GAAGAAAGGACAGGCAAGAACACCAAACTACCCATTTTGATTGGACAGGGACTCTAAGGCCATATCCCAT  
ATCAAGCAAGCGTGAAGTACCTCCTCACATTGATCGGCCGATTGGGCAGATGATGGAATCCAAAAATTGA  
GCCAAATAGTGAATCCAACATGTTGTTGAGATCAAAAAACCTGATCAAATTGAAAAATGAGGGAGGTTGG  
CAGGATTTCAAGGGAAGTTTATAGATGCAGCTGCTAGAGTGATTGGCCAGGTATACTACTGATGAAATTGAC  
CGTGTGGTTCATGAAGCAACGATCGCTGCAGGTGGATATCCATCTCCACTCAATTATCATTTCTTCCCAAGTC



TTGCTGCACTTCTGTTAATGAAGTGATTTGTCATGGCATTCTGATGCACGGAACTAGAGGATGGTGATATT  
GTAAATGTGGATGTGACCGTGTACTATAAAGGGTATCATGGTGACCTCAATGAGACATATTTTGTGGAGAAG  
TTGATGAAGAGTCCCGACGTTTAGTCCAGTGTACTTATGAGTGCTTGGAGAAAGCTATAGCCATGGTGAAACC  
TGGAGTCAGATTCCGTGATGTTGGAGAAGTTATTAACCGTCATGCTTCAATGTCAGGCTTGTCTGTGGTCAGG  
TCATATTGTGGGCATGGCATTGGGGAGCTCTTTCATTGTGCCCTAATATTCCCCATTATGGAAGAAACAAAGC  
AGTTGGTGTGATGAAAGCAGGGCAGACCTTTACCATCGAACCAATGATCAACGCAGGCGTATGGCGTGATCG  
GATGTGGCCTGATGGGTGGACTGCTGTTACTGCTGATGGCAAACGAAGCGCTCAGTTTGA

>trans\_c\_978 AF462857|Arabidopsis thaliana At1g29350/F15D2\_27 mRNA, complete cds

TCTTCTGCACCAGCAGATGTATCTTCAGTTGCTCACTCTGAGGCTAGAAATTCTGAGTATTACGAGGATGACGG  
TGCTAACTCGGATGGGAACCTTATCCACAGAACTAGTGCTAGTGGTGGGTATTACGAAACACCTACTACACAA  
GCAGAGGTGAAGCAGGAAAGCTCTGAAAATGCTCAGGCTAATCTATATGCATTTCCATCCTCTTCTCCTGGATT  
TAGTTATGAGAGCAACCAACCATCAGAAATTCATTTATACAGAATAGTTTCAGAAATGCAGAACCTTGAAAGA  
GCAATGCTTGCATACACAAATACTTTATCCAACAATATGTTGTTGGCTTCCACATCTCAGACAGTGAGGGAAGA  
TCCTCAATATTCACCTTTCTGACACACAGTCGGTGCCGAAATACAGCAATGTTGCTTCTTCCATCACTGGCCC  
CTCCATGTCCATGCCGGAGGTTCTAAGAACAAGTAGCATTACTACCTCTCAGCCTACTCCACAGTCCAACGTTG  
CAGCAGGACCAGCCGTTCCACAACACCTTGCTGTTTCATCCTTATCCCAGCCCACACTTCCTTTGGGTCATTTTG  
CAAATATGATTGGCTACCCTTTCTTGCCACAGAGCTATACATATATGCCATCCGGATTCCAACAGGCATTTGCA  
GGTAACAGTACATACCATCAAGCTTTGGCAGCAGTACTTCCACAGTACAAAAATAGCATTTCTGTTAGCAGTTT  
GCCTCAGTCTGCTGCTATTGCTTCTGGCTACGGATTGGAAGTTCAACTAGCATACTGGAGGAAATTTCCCGC  
TAAATCCTCCACAGCACCTGCAGGATCATCCATTGGCTATGAAGATGCTATTAGTTCACAGTACAAAGATATT  
AATCATTTGCTGTCCCTCCAGCAGAATGATAACCCAGCAATGTGGATTATGGGCCTGGTTCCTCGAACAATGTC  
TGCTGTTCCCGCTAGTGCATATTACGGCCTTCAAGGGCAGAATCAACAATCTAGTGGATTCCGACAAGCTCAA  
CAGCCTTCACAACAATATGGGGCTCTGGGATATCCTAACTTCTATCATTCTCAGGCGGGTATATCACCAGATGG  
CCAACAGCAAACCCTCAGGGACGCACCTCTGGGCGGGTCTCAAGGTCAACAGCCGAAGCAGTCGCAACAGAT  
TTGGCAAAACAGCTACTAATAGGCTGAGTGTGTCATAGTAGTGGGCAAT

>trans\_c\_979 AY149957|Arabidopsis thaliana At3g15030/K15M2\_17 mRNA, complete cds

GGAATTTCGGAATGTACTATGCAAAATTTGCAGAATATTTTCGACAGAGGATAACCATAATAGCGACAACCTCCA  
ACTTTCTTCCACCATCTTTGATTTCGGATTTCGATTGTCGATACCTTCAAATCGTTTTTACCGGTGACTCCGACGG  
CAGCGGCAGAGACACCGTCGTCTATTTTTGAGTTTGACACGTTCCCTCCGGATTTACTTTCCAGAACAAGTAGC  
CGAACGCAAGATCTTCGGCTCTCCTTGCACTCTTTCACGGCCCAACATCGAAGCTTGAATCCGAACAAACACA  
GCAAAACGACAATCTCTATTTCTTGGAACAACACCATTAGGTTGCTTCGACGGATGGTCGGAGCAGCAACCC  
TCACCGACCATGGAAATCAGTCGATTTAGAGGATATTGAATTGGAGCACAGTGAGTGCAGATCATAGTGGA  
GGCGGAGACGGCAAAGCTGGAGGTGTGGATGGAGAATTCTTATACAACCTCGCAACCAACAAGCTCGAGTTTT  
CCTCCGCCATCGCCGCCGTTGCCAATTCTGCAACCGCTATTTGGAGAAAACCAAGTTGGTTTTCTCAGAGGGGAC  
CCCTTCAGTCCAGTTACACGCCCTCGATTTCGCGCTTGACAGACCCGTCAATCGCCTTCATGGATAATCAGCAG  
CAGCTAATTCACCGTCGATCCACCAATCTTCTTTTCCGGGTCTTGGATTGCGCCACCGGCGGATTCTCAGGTTT  
CTAATTCGACGCGAATCCCGGGTGAAGAGGAACATGATGGTACTTCTGAAAAGCCATCCTCTGCTTCTCTCA  
ACTCCCGCCATTGAATCTGCTTAAACAGCTGCTTAAATCTCTCCCTATTTTGTAAGTAACTACGTTATATTAAGT  
AGCCGGTTTATTCACTTCCAAGTTTAGTTCTAACACCATTTATTTAACTGTAAATCTTTATTCGAGGACTTGTT  
CATCGTTAACTAATAAAGTCAGTGAATAAGCTGCTTTCCATTGATGGCTTGTTCAGGGAGCAGAATTTGTG  
TCACTTTCTCAATGGCTTTTACTGTGGGAAGAAGAATCCTAAACTATATCATCAGGTTTCTTCATTTCCCGATT

ATCTCCTCTTCTGTTTATGTTTTGGGTTTTCTTTTCCTGTTTGAAAGCTTGCCTATATCTATCTCCATTTAGAGC  
TTTCTATGCTATGGAGTAGTATCTGTTTTGTTTCAGCGTGTATT

>trans\_c\_980 AY091690|Arabidopsis thaliana At1g05230/YUP8H12\_16 mRNA, complete cds

ACTTTACTATTTTCCCCTTTCTTCCTTTACTCTTTTCCCTTTCTTTTCTACCATCTCGACGAAAGGAACACTAAAAA  
CCCCAACCTCACTCTTCTCCATCTCCACCTAGCCGACCACACAAAAGGACTTTTCTTCTCATCGACGGTGACCCA  
CAACGTTTCGGTCAGTCACTAAAGGGAACGGCAGACCACGACGCATTTTCGGCCATATGCTTTTCGGACGGCGA  
CGTTTAAGCTAAGTAGAAGCTATACACGTTTAGGGCGACCCACATCGATTTGGTTATGCAAATCAAAAGATT  
GATTTTCCAAACGATTTCTTCTTGGAACTCCACATCCTTTACCAGATTGAAGGGGGTTATGTTGAAGATGG  
AAGGGGAAAGAGTAAATTGGGATATTTTTTTCTCATATTCCAAGCTCAACCCACTTTCTAATTTCTCATTTTGA  
TAGAACTCAATTCTTTAATTTTCTAAAGAAGTTTTTATGGAATTTGCAGGAAAAATTAAGGATAATAACACA  
GGAGATTTGGCCGACAATCACTACCACATGTTTATGGAAGATATTGAATTGATGGATTCTATGGCGATGAATG  
CTGATCAGTTGTCCATTTCTGGACCCGAATTTTGCCCAAATCAACGGTCAACAATATTCATATGGATTGTGTCA  
AGAGCTAAGACATTAGAAGTATTATCAATCAGCGTTGCTGGAACTACAACGATAATTACAAGTTGTAATTA  
ATTAATTAATTAATTAATTAATATATAATATTCCTCTCAATCCGTATTCCTCTCAATCCCAAACATATATATTC  
AATTATATATTAGTATATAGTTTCTAACAATATATATAAGTTTATTATTATTGAGTAAGATGACATCAAGTTGCA  
AGTGGCTTCTCCACAAGTTCCAACCTGGAAGAGCTATTTTGTGAGGTATTGTGAACAACATGGAGAGGGAACA  
TGGGTTGTTGTTGACGTTTACTTAGACAATTTACGCCTAGCTCCTGCTTTTAGATGTAGAAGGTCATCCGGCTG  
CTTAACCCAAGAAATGCCCTACGGTTATTCTAAGGTTACATGGGCTGAGCATGTTGAGGTGGATGATTGTAGT  
GTCTACAGTTTATACAACCAACTAGTTAGCTCTGGCCACACGTTCAACGCAAAGCGTTGGATTGCCACGTTGG  
ATCGTCAGTGTGAACGACTCGCCAGCGCCATGGCCACCAGTATT

>trans\_c\_981 NM\_123737|Arabidopsis thaliana glycoside hydrolase family 47 protein  
(AT5G43710) mRNA, complete cds

ACAGTTTGCAAGCATTTTGGTCAGGGCTTCAGGTTTTGGCAGGAGATATTGACCCTGCAATCCGGACACATAC  
TGCTTTTCTTAGTGTCTGGAAGAGATGTGGATTACACCCGAGGGTTTCAATCTTGCTACACTCAGTGTTTCAGC  
ATGGGCAGAAAAGTTATCCACTACGCCAGAGTTAATAGAGAGCACTTATTGGCTCTACAAAGCCACCCGAAA  
TCCCAGATATCTTGATGCCGGACGGGACATGGTCGCTAGTTTGCAATATGGTGCCCGATGCCCATGTGGATAT  
TGTCATATATCAGATGTTGAGTTTACAAGCAAGAAGATCACATGGAAAGCTTCTTCCTTGCTGAAACGGTAA  
AGTACTTGTGGCTTCTTTTTGACTTGGCCGCGGGCCCTGACAACCTTGTGGAAAATGGTCCATACAAGTATGTT  
TTTAGCACAGAGGGCCACTTGTTCCTGCAACCCCTCAAATATCCCTAGTTAGGGAACATTGTTTCATATCTTGG  
GGCTTTTGTAAAAGTGAAGTGGAGCCCAAATCTGGTAACTTAAATAATGCAACTGATGTTGAAGAAGCTAAA  
CGTTCATTCTCCGAGGGAACAACCTCCACAGAAATCCGTCAAGCTCTGATTTTTCTGAGCTGACATCAACAAC  
TGGGTTGATCAGGGGGTTTTGCCAGGACTGACTCATGGACAGAAGTTTGGTATAACGTATATTGGCTCGAAA  
ATGGCAGACGAGTCCGTTAATGAAAGAGAAAAGTGTGAAAAACATTTGACAGTGGTTGAAACTGATCAAAAC  
TCCGGGCATTTCGACATCTGATGAAATAAACCATGATAATTCTCAGGAGCCTGGGGAGGACTTTCTGAATGACC  
CACATGCTATTTAAGGAACTCATTTTTTCAAATATATTTTTGGAATGACTTAAGAAGATCTGATGGCGCCTGC  
CATCTGCTTCTCCATGGATCCTCCTTACTAACTTCTTTGGGATATAATAATTGGAAGCATGAAAGATTCTAACT  
GCTGGTGGAGCTTATTGTCACAACCATGGAGGTATATTCGTCATTAACGGCGTGAAACGAGAGCTTGGTAGC  
AAAAAGCTGACATGTACAAACAACCTTGTCTTGTGTTGCTGATTAATATTGAGTTCATGCAGATTCTGCTGATT  
GATGCGTTAACTTTTTTAAACATTTTGCCATTGTAACATAAAATTACTACTGC

>trans\_c\_982 NM\_116724|Arabidopsis thaliana DER2.2 (DERLIN-2.2) (DER2.2) mRNA, complete  
cds

GTTTTCTTTCGCCGCTTTCTCCTCCAATTTCTTCCTTCCGACTTTGCGGATCTCTTCCCTGCTGGGATTTGCG  
CGGAGAATCTCTTTCGCTCCGAGCTCCGGTTCTTCTTTCAAGCTTATAAACATTACCCCTTCTTCGTCTTCGATCT  
TCACCTGACGTTTTTTCTTTATAGGGGATCATTTCTTCTGAGATTCGATGGCTCAAGCCGTTGAAGAATGGT  
ACAAGCAAATGCCTATTATCACCCGTTCTATCTCACCGCTGCTATCGTTACCACAATTGGTTGTTCTCTTGATA  
TTATCTCTCCGCATCATCTTTACTTGAACCCATCCTTGTGGCCAAGAAGTATCAGTTCTGGCGTCTCATTACCA  
ACTTCTTGTTCTTCCGTAATAATGGATTTGGATTTTTGTTTACATGTTTTTCTTGCTCGATACTGCAAATCTCT  
GGAAGAAAACCTCTTTAGGGGAAGGACAGCTGATTTCTTTTATATGCTCTTATTTGGGGCCACGGTGCTGACT  
GGAATTGTTTTGGTTGGGGGAATGATACCTTACTTGTCTGAGTCAATTGCCGAAGTTATATTCCTTAGCAACTC  
TCTGACGTTTATGATGGTTTATGTGTGGAGCAAACAAACCCATTCATCCATATGAGCTTTTTAGGCCTCTTTAC  
TTTACGGCAGCTTACCTGCCATGGGTTCTATTAGGATTCTCTGTAATTGTCGGGGCCAGTGCTTGGGTGGATC  
TACTGGGTATGGTTGCTGGCCACGCATATTATTTCTGAAGATGTGTACCCACGAATGACAGGTCGTCGACC  
ATTGAAAACCCCATCCTTTATCAAGGCTTTATTTGCCGATGAAGCTGTTGTAGTGGCAGACCTGCGGATTGA  
GATTTGCAGCCCCTGCTGCCGAGGATATTCATCAAGATTAGTTTGTTAGACACTTGAACAGATCTAGTGATATG  
GAATTTCCATCTTTTGGGCATTATCCACCCTAGAAAGGAGCAACCCCTGATTGCAAGAAATTGTAATTTCTT  
CTGTAACATAGCATAACCAATTCTGGCTTTATTTCTCCCCCTCTTTTGGTATTGCGTTTGTGAGATAGTGAAT  
TGAATCTCAATTTCAATTCATTTGCATTGGAATTTCTTGATTCAATATTATGCAAATGAACAAGCAATTTCTTCGT  
GATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_983 NM\_119521|Arabidopsis thaliana DRP3A (DYNAMIN-RELATED PROTEIN 3A); GTP  
binding / GTPase/ phosphoinositide binding (DRP3A) mRNA, complete cds

AATCATGCATTTCTGGTTAACCATACCAAGCAGGAGATGCACAATGTCTTCATAAAAAAACTTTATAGGTAAC  
TAAGATTTGTAATTATTCTTTCTGTAAAGTACATGAGATGCATATCTTCAGGTTTTGATCATATCCCAATTCTTT  
GATTTCAATGTGGGAAAATAGAGAAAACCTGTTTGAAGAGATGTTGCAGGAGCCCGATGAGGTGGCAATGA  
AGAGGAAGCACACACGAGAAACCTCCGAGTTCTACAGCAGGCTTTTCGGACATTGGATGAATTGCCTTTGGA  
AGCGGAGTCGGTCGAGAGAGGTGATGATCCGACCGGATTACCGAAAATGCATGGAATGCCAACATCATCCAT  
GTATTCTACCACCAGTTTGAATGATTCATTCTCCCTTCTCCCAAGAATCCCAAGCCGCGAAAGTCATCATATTC  
GGGGGAGCTTCAGGTGCCGGTATACGGCAATTCAGATTCTAATGGGAATGGTTCGATCATTATGCCAGCCTT  
TATCCAAAACCTTGATCTATAATAACTCTCCATGTGCATAGCCAGTCCAAAATGAACATTGAGCCAATCACATCA  
TTTGTTTTGGAGTCCAACAAGTGGAGCTAATGGAATTCCTTAGTCTCCAACAAGACGTTCTCTGTCAGATGCT  
TTTTATTATTCCAGCAGATTCTTTCGAAGTCGACCATTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCTCATCT  
CCCTATCTGTATCGGTCTTGATGGTATAGCGTATGTAGCTTTGGGAAGAACAAGAAAAATAATGGGGAGCA  
GTCAGCAGTACATTAACCTATTCACTCCTCACCTCTCCTCTCTCCTCTTGTTGGTTGTTTGATAAAAGTTAGCC  
AGTTTTGGTTTAAAAAAGATGGCTAGTTTTTGAATTATACATCATGAGACTTGAAAATTGAATTGGCAGGT  
GTATCTTTGTTTAGTTTAGTTAGTTATAGTTTTTTGTTTGTCTTTTGTAGCCGTATTATCAATCAATTATAT  
ATTTTGAGGTTGAGATTGAATGTTTTTAGTCTGTTTATATGAAAGTTGTAAGAGATATTCTTAGTTGTACCATAT  
GCCATCGAGAATTAACCTTAAAGGCAGCTGACCAGGTAGCCTGTGGCCCATAGTTTTTTTTTTAATTAATTATT  
ATATGCGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_984 HM747959|Solanum lycopersicum beta-amylase (BAM1) mRNA, complete cds

AAGCGTTGAAAAGCGCCGAGTTGAGGGGATCATGATGGATGTGTAGTGGGGATTGGTGGAGAGAGACTCG  
CCTGGTTTCGTACAACCTGGGGAGGCTATACAGAGCTTTAGAAATGGCTAAAAAGCACGGCCTCAAAGTCCAA  
GCCGCCATGTCCTTCCATCAATGTGGCGGAAACGTTGGTGACTCTGTCACTATTCCTTTACCTAAATGGGCAGT  
GGAAGAGATGGATAAAGATCCAGACCTTGCGTATACCGATCAATGGGGGAGAAGGAATTATGAATACATATC  
ATTGGGATGCGACACCCTTCCTGTTCTTAAAGGCCGAACGCCTGTCCAGTGTTACGCAGACTTCATGCGCGCTT

TCAAGGACAATTTCAAGCACCTTCTTGGTGACACCATTGTGGAAATCCAAGTGGGAATGGGCCCAGCTGGTGA  
GCTCCGTTATCCATCCTACCCTGAGCAAAATGGAACATGGAGATTTCCAGGAATTGGAGCCTTCCAATGCTTTG  
ATAAGTACATGCTGAGTAGTCTAAAAGCTGCTGCTGAAGCTTCCGGTAAACCTGAATGGGGCAGCACAGGTC  
CAACAGATGCCGGAGGCTACAATAACTGGCCAGAAGACACCCCATTTTTCCGGAAAGACGGTGGTGGCTGGA  
ACTCGACATACGGCGAATTCTTCTTACCTGGTACTCCCAAATGCTGTTAGACCACGGCGAGAGAATCCTCACA  
GCAGCCACCTCAACTTTTGAGAACACCGGTGTCAAGATATCAGTGAAGATCGCTGGAATCCATTGGCATTACG  
GCCACCGCTCACATGCCCCAGAGCTCACTGCAGGCTACTACAACACACGGTACCGCGATGGATATCTCCCAAT  
TGCTCGTATGCTAGCTCGCCATGGTGCAATCTTCAACTTTACTTGCATCGAGATGCGCGACCACGAGCAACCAC  
AGGATGCCCTTTGTGCCCCGAGAAGCTGGTCCGGCAGGTAGCTCAAGCCACCCACAAAGCACAAGTCCCTCT  
TGCGGGGGAAAATGCTCTGCCTAGATACGATGAATTTGCCACGAACAGATCCTGCAAGCTTCGTCTTTCATT  
GGGGATGAGGATTCAGAGGAAAGTGAAATGTGTGCTTTCACATATCTGAGAATGAACCCTCACTTGTTTGAG  
GCAGAGAACTGGAGAAGATTTGTGGCATTGTCAAGAAGATGAAGGAAGGGAAGAACCCGGAT

>trans\_c\_985 AY365248|Cucumis sativus 60S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

CTCTGCTCCGGCCGTCTTCGTGTCTCTCATCCTCTCACTCTACTTCAGGTCGCAGCTTCAGAGATGGCTTTCGCG  
AAGGCTCAAAAGACGAAGGCATACTTTAAACGGTATCAGGTTAAATTCAAGAGAAGAAGAGAGGGCAAGAC  
TGATTATAGGGCTAGGATTCGCCTCATTAAACCAAGATAAGAACAAGTACAACACTCCCAAATACCGTTTTGTTA  
TTAGATTTACCAATAAGGATATTACAGCACAAATAGTGTCTTCTAGCATTGCTGGTGACATGGTTCTTGCTTCT  
GCTTATTCTCATGAGCTGCCACATTATGGTCTTGAAGTTGGTCAGACAAATTATGCTGCAGCCTACTGTACCGG  
ACTTCTATTGGCTCGCCGTGTCTTGAAGAAGCTTGAGATGGATGATGAGTACGAGGGTAATCTTGAGGCTACT  
GGAGAGGATTACTCCGTGGAACCCACAGATAGCCGAAGGCCTTTCAGAGCCCTCCTTGACGTAGGTCTAGTTC  
GAACAACTACGGGAAATCGTGTTTTTGGTGCCCTCAAGGGAGCTTTAGACGGTGGTTTGGATGTTCCACACAG  
TGTTAAGAGGTTTGCTGGCTTCTCAAAGGGTAACAATGAGCTCAATGCTGATGTTTCGAAAATACATTTTTG  
GAGGTCACGTTGCTGCCTATATGCGGACCTTGATGGAGGACGAACCGGAGAAGTATCAAACCTCAATTCAGTG  
ATTACATCAAGAAAGGGATTGAGCCTGACAACATCGAAGAGTTGTTGAAAAAAGTTCATTCTGCAATCCGTGC  
AGAACCATTGGCAAAGACGACTGAGAAGCAACCACCAAGACCCACAAGAGGTATAACTGAAGAAGCTTAC  
ATACGAACAAAGGAAGGCCAAGTTGGTCGAGCGTTTGAATGCATTGAATTCTGCTGCTGGAGCTGACGATGA  
TGAAGACGACGAAGAGTGATTCAACTAGCCTTGCTGGAATCACAACACAACTGTATTTCAACCAATTCTATC  
AGTACCAACCATTTAGCTTATGTGAGAATATCCATATATTATATTTTTTTCAGTCTCCCCGAGGCGATTTTGCAG  
CTTTTTTTTTTAATCAAAATTTCTAGTGTTTTCTTGATTTTGGATGGCCATAGTTCTAGTTTCCAAATTCAAAT  
GAAATCTGGATAAAATGAAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_986 NM\_001054934|Oryza sativa Japonica Group Os02g0797700 (Os02g0797700)  
mRNA, complete cds

CAAGCGCAGATGAACGAGGAGTTATCTGGTTGGAAGCTTGTTGTGGGGGATGTTTTCCGTGCTCCAGCCAAT  
CCTGCACTTTTGTGTATAATGGTTGGTGATGGGGTTACAGCTTCTAGGGATGGGAATTGTGACCATATTGTTTGC  
TGCTCTCGGGTTCATGTCCCCAGCATCCCGTGGAACACTGATTACAGGTATGCTATTTTTCTATATGATTCTCGG  
TGTCGCAGCAGGGTACGTTGCTGTACGTCTTTGGAGAACTATCTGTTGTGGCGACCACAGAGGATGGATCTCA  
GTCTCATGGAAGGCTGCTTGTTTCTTCCCTGGCATTGCCTTTCTAATTCTTACTACACTGAATTTTCTATTGTGG  
GGTAGTGGAAGCACTGGTGCCATTCTTTTTCGCTCTTCGTTATCCTACTTTTGTGTGGTTCTGTATATCAGTT  
CCTCTTACTCTTGTTGGTGGTACTTGTGCCAAGGCACCTCATATTGAGTACCCTGTGAGAACCAATCAAATCC  
CAAGGGAAATTCACCCAGAAATACCCATCATGGCTTTTAGTACTTGGCGCTGGCACTCTCCATTCGGCACC  
TTGTTTCATCGAACTCTTCTTCATCATGTCTAGCCTCTGGATGGGTGCTGTTTATTATGTTTTCGGGTTTCTTTA  
TAGTGTTGGTGCTTCTTGTTGTTGTTTGCTGAGGTATCCTTAGTGCTAACCTATATGCATCTATGCGTAGAA

GATTGGAAATGGTGGTGGAAAGTCTTCTTTGCTTCTGGTTCAGTTGCCTTATACATCTTCTTGTACTCGATTAAT  
TATCTCATCTTTGATCTTAAGAGCTTGAGCGGACCCGCTCAGCCACCCTCTACCTTGGTTATTCACTCTTCATG  
GTTCTTGCAATCATGTTCACTGGAACAGTTGGATTCCCTCATCGTTCTAGTTTGTGCATTACTTGTTCTCTT  
CTGTGAACCTGGATTGAGTAATCTCATCATGTCCAACTGCTGAAACCATTAAAAGGTGCAGCAAGCTCTATG  
CAGATGTTCTATCATGTATTAGTCATTGTCTTTGTTTTTTTTTCACTCAATTTGAGCATGGATCTAGATAATGTA  
GCAACAATACTTGGTTAGAAGTTTTGCTTCCTATTGTTTTATGGAGCTCATTGTATGACATTTCGAACCTGAGTT  
TACTTTCTAAAAA

>trans\_c\_987 AM498291| Glycine max mRNA for Rieske iron-sulphur protein precursor (petC gene)

ACCCACATTTTAGATTTCTGAGAAAATTTCCCCTCCACTCCTTGCTCTGATCCATCCATGGCGTCTTCCACTCTAT  
CTCCTGCAACCCCATCACAGTTATGTGCGAGCAGAAGTGCTTTGTTCTGTCCGTCTCAAGCCCTTTTGAGGAAA  
CCCAAAATACTCAATGGGGGCAAAGGGAAAGGAGATTAAATTTCTTGTCAGCTACTAGTATTCCAGCTG  
ATCGAGTCCCGGATATGGGTAAAAGGAAGACTATGAATTTGCTTCTTTGGGTGCCATTGGACTTCCCACTGC  
TACTATGTTGTATCCTTACACCTATTTCTTTGTTCTCTGCTGACTGGAGGTGCTGGTGGTGGGGTTGTTGCCAA  
GGATGCTCTTGAAATGATGTTTTTGCAGATGAATGGCTGAAGGCACATGGCCCTGGAGACCGAACCTCAC  
ACAAGGCTGAAGGGAGATCCTACCTACCTTGTAGTCGAGAAGGATAAAACGCTTGCGACATTTGGAATCAAT  
GCAGTCTGCACTCACCTTGGATGCGTTGTCCATGGAATGCAGCTGAGAACAATTCATCTGCCCTTGCCACG  
GATCCCAATACAACGATCAAGGCAGGGTTGTTAGAGGACCTGCACCTCTGTCTCTTGCCTGGTTTCATGCTGA  
TGTAAGCATGGAAGGTAGTGTTTCGTACCGTGGGGTGAAACCGATTTCAGAACTGGCGAGAATCCATGGTG  
GGCTTAAGCTTCTTCTCATGTAACATCCCTTCAATTTGAAGCAATTTTTTTTCTTCAATCTCCATCTCAGTTTTCT  
CCTGTTTGATATTTTGATTTGTTGGATGAAATATGTAAATACAAGACAATTGAATCCTAGGCTATGCATTG  
ATAAGCTTTGATATTAATACCTCTCTCCCTTGTCTACTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCCCCCCCCC  
CCCCCCCCAAAAAATTATTTAACCCCCCCCCCTTGGGGGGGGCCCCCACCAAAACCCCCCAATTAGCAAA  
TTTAATCCCCCGCCCCAGGCCCTTTTAACAAACGGGGAAGAAAAA

>trans\_c\_988 NM\_001063219| Oryza sativa Japonica Group Os06g0129800 (Os06g0129800)  
mRNA, complete cds

AATCGGAAGAATCCCAGCGGTCTTCGTCGGCGGCGGCGATTGAGTCTACACTCCGGTTTTCACTCCGACGC  
AGGGCTGCAAATTTGATTATCGAGGGAAAAGGCGAGATGGGAGGCAAAGGAATGCGGAGGAGAGAGCGGA  
ATTACAGAGCTGCTCATGGCGGTACGATCGTCTCCGCGCCGCTGACACTTCCCAAGCCGATACTTTACCT  
TCTAAACTCCGCAAGTTAATGTCCTTTACTTCTCTCGATCTCAAGAGTCTGAGGTCTCTGAAGATCTTCAGCGA  
AAGCGCAAGAGAGATGCCTTTAATACTGAAAAGAAATCCAATCAAAGGATGCTTCGGGAAGATCCGATGTA  
AAGAGCAAAGCTAATGGTGGGAATTCTCAAATGCCTCAACGTACGGGTAGTGATATTGACGATGTGCAAAGC  
AAGTCCAGTGAGAAGAAAAACAAAAACGAAAGAGAAAGCAAGTTACTGACCTTCGTTTTGAAGACTCTTTG  
GAGGAATCAAGTCGACGTTTAAAGAAACGCGAACGTCGGAAAAAATATCAGGAGGCGAAGAAAAACAAACA  
TAAAAAGCCAAGACGGAGGAGGTTCTAGACTTCCCAAGACATGAAAAATAAAATTTGGAGACGTGGTTGA  
AGCTCCACTGAAGTTGCTTGCAAGTCCGAAGGCATTTAAATCTGCACAAGTTGCTTCTCAAGAGAGGAAGCGG  
TTGCAGGCTATAAATGAGTATAGAAACCGCAAGGGGTGGACTTCAAGGCCAGGGATACAAATACCCTCAATG  
ACTATAGCACCAGCTGATTAATTCAGCAGATTTTGTTCATTAGGAGGCCATAAGCTGGCAGTGGAATGGGAA  
TCTCTCTCTAATCAAGTACAGGAGAGTTATCAGAATGTGGTCTAAAAGAGATGATTTGTTCTAAAAATTACC  
AAGCATTCAACTGAGAAATCAAACCAAGATTCTCAAATCTTATCAGAAACAGGTTGTGTGATGAAAGCTGT  
TATAACCATCTTCTGCTCGTTGTTTCTTTGTATGAGAATAATAGTCTAGTCTTGTGGTGAAGTTTATGGTTCCA

GTTTAATTAGGATGAGAATGCTTTCTTTTTGGTTCAATTATAATTGATGTTTTGTTGTAGAGAGTAAGTTTGTAT  
CAGCTTTATTTCTATACTAAGTTTTTATTTGTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_989 XM\_002308946|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 4 (EBF4), mRNA

TCAATGGTATTAGAGATTCTGGGCTATTGCCATTGTTTATGAATTGTAAAGCAGGATTGGTGAATGTCAATCTA  
AGTGGCTGTGTGAATCTAACCGACAAAGTGATTTCTCTTGACCAAGCTTCATGGTTGGACTCTTGAATTGCT  
CAATCTTGATGGTTGTTTGAAGGTCACCGATTCAAGCTTGGTGGCAATTGCAGAGAACTGCCATTGCTCAAT  
GATCTAGACGTCTCCAAGTGTGTATCACTGATTTTGGGGTTGCAGCACTTGCTCAAGCCAACCAAGTTCAACCT  
GCAACTCCTTTCTGTGTTGGGTGCTCTGCCTTAACTGACCAGAGCTTGCTTGCTCTTGTAATAATTAGGCGACT  
CCCTCTGGGCTTGAATCTTCAGCACTGCAACTCAATCAGCACCAGAAGTATTGAGCTGCTATTGGCTCAACTC  
CATCGGTGTGACATCCTCTACTGAGCTTATTAGCAGAAAAGGCGATAACAAATGGAGGAATCCATCTGTAAGA  
AGGTAGCATAAAAAATATTATCAGGGTAATATCATTAGACTAGTTTTTGGGTCCATGGGGGTATGGGTCTTCGT  
CATCTAATAACCTTAGGTCCATTTTCCAGGGAATATGGTCATTCTTTCTTTTTCACAGATCTCCCTTGAATGGG  
TTCTGTTTTTAGTGTGTTGGCTCTCACATGAGATGTCTCTCACTTTGATTGATGGCCATCCTTCCCTGAGCTTCC  
AGTTTCTGGATCAAAGGTTATTAGGTCCTGTGTTATTTGGGTAATCCGTCTCCTGGTTTTTGTCCCACTCGTCAC  
CATGTAGGGATTATCTCAGGTTCAATTACCCGATCCACCTTTCGGTTTCTTGCTTGTTTCTGTTATGTTTGGG  
TTTGTTTTGTATTTTCTCAAAGGGGGTAGAGTTTATGATCGCTAGACAAATCATCTCTTGTTACTCTTAG  
CAGTTCCCGTATTTGGTTCCTTTCATGCACGGGGTCCCGTTGTGGCAGCGGGTTATACAAGTCTGTCACCAC  
AATCTTCTTGTTGCAAGGGATTGTTTTTAGAGTTTATACCAGGCCTTGTTTTTCAGGAACCAATTTTTTTTAA  
AGGAACTTCGCCATTTCAACTGAGTTGTATGTAATGACTTGACAGATCGGCCCTATGTCCTTTGTGATGTAAC  
TGTAAGTTTCGTATCCAATAATATTAATCATATCCCAT

>trans\_c\_990 AJ130885|Fagus sylvatica mRNA for xyloglucan endotransglycosylase 1

GGAAATCTCAGCGGTGATCCTTATACTCTTCATACTAATGTTTACACCCAAGGCAAAGGCGACAGAGAACAAC  
AATTTACCTTTGGTTTGATCCTACCTCTGATTTCCACACCTATTCAATCCTCTGGAATCCCCAAGGGATCATGT  
AAGAATCAAACCAATCAATTGATTGATCGTCTTAAACATGGTATCATACCCTTAAAAACAGAACTAAAAATTTAT  
GTTTTTTTACGTGCGAATGACTTGAATCTTATATCTAACATTTTGAACGCCAAGAAGATAAAAAATAGTATTGTT  
AAATTTTGACTTGAAAAAGAAAAACAGAGTATTGCTATGTTTTGTTATGTTATTTGCGGTTTTGACTAGTTTAA  
AAAATCTAATCTGTTACATAAATTATAGAATTCTTGAATAATTCATTTAATAATAAACTGTTCTTAAACGCCGGT  
AAATCTGTGTATCAATTAACCTTTCAGTGGTCTGTTTGGTGTCCATGGATAACCATTGTGTATTGGTTGGTTTCG  
ACAGATTCTCGGTAGATGGAACACCGATCAGAGAGTTCAAGAACCACGAATCCTCGGGCGTTCTGTTTCCAAA  
AAACCAACCGATGAGACTGTACTCGAGTCTATGGAACGCGGACGACTGGGCGACAAGAGGAGGGCTAGTGA  
AGACAGATTGGTCAAAAGCTCCATTACAGCGTCGTACAGAAACTTCAACGCCGACGTTTGTGTGTAACCTACC  
CCCTGTGTCGTGTTTCTCAGGAGGGAATGTGGGGGGAAGAGGATGGCTGTCGAAAATCTGGACATTAC  
TCGACAACAAAGGATGAAGTGGGTTTCAGAGGAATTACATGATTTACAATTATTGTACTGACGCCAAGAGATTC  
CCTCAAAGCTACCCTCCGGAGTGACAATTGCCCTTGAATTTGGTTCATGCCCCACATTCTCCATTTGCCTTTC  
TTTCTTTGCTTTGCTTGCCGTACAAAATTTGGAAGGATAGATCATCTTTTAAACAATTAATTAATTAATTAATTA  
ATCACTAATAAAATTAATCATATAGTATTGTTGTATTATTGTATATAACAATATGAATATCTGGTTTTGCATGGC  
TATATTGTCTACGTGGTCTGTTTTCTTCACTCCTATATTTGGGGAAAAAAATTAATAAAAAATAATAGTGAG  
ATGCCCTTTTCATCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_991 NM\_001054418|Oryza sativa Japonica Group Os02g0708400 (Os02g0708400)  
mRNA, complete cds

CCGTTACGACGAGGCTGTTTTGCTTATCAGAAAGCCCTCACTGTTTTCAAAACCACCAAGGGAGAAAACCATC  
CAGCAGTTGGTTCAGTATATGTTCTGCTGATTGTACAACAAGACTGGAAAAATGAGGGAGTCAGTATC  
TACTGTGAAACGCCCTTCGAATTTATGAAAAGCCTGTCCCTGGGATTCTCCGGAGGAAATTGCTAGTGGT  
CTTACTGATATTGCAGCTATCTATGAATCAATGAATGAAGTTGAGCAAGCAGTCAAATTATTACACAAGGCATT  
GAAGATATATAATGATGCTCCGGGACAGCAAAACACCATTGCTGGAATAGAAGCCCAGATGGGTGCTTGTA  
TTATATGCTGGGGAACATTCTGAATCTTACAACCTCTCAATAATGCAATTCCAAAGCTTCGCAACAGCGGAG  
AGAAAAAATCTGCTTTCTTTGGTATAGCCCTTAATCAAATGGGGCTTGTGTGTGTTCAAAAAATATGCTATAAAC  
GAAGCTGTGGAGTTATTTGAAGAAGCCAAGAGCATACTAGAGCAAGAATATGGACCTTATCATCCTGATACTC  
TCGGGGTATATAGCAACCTTGCTGGAACATACGATGCAATTGGCAGGTTGGATGATGCAATTGAAATCTTGGA  
GTATGTTGTTGGCATGCGAGAAGAAAAAATTGGGACAGCCAATCCTGACGTTGATGATGAGAAGAGAAGATT  
GTCCGAGTTGTTGAAAGAAGCTGGTAGAGTTCAAGCCGAAAGGCGAGATCACTCGAGACTCTTCTTGATGC  
CAATGCTCATACTGTAAACAGTAAAGGAATTCAGGTTTGATAAAAAGATTAAATCACACAAGACCGACAATTG  
TCGCCTAGTTTAGAACCGATTCTCACAAACACGGCTAGTTGCGCTTGAGTAAATCCTGATTCTTTAGGTTGTT  
GAAATTCAAATACTAGAGTTTGGCGTTTCGTTTGCAATTGTCGATTAAGTTATCTTGATTTGTGTATGAAGTTTG  
TATTGTTCTGTATATTTTACACGTAAGCGATGGCGTTGTCATTTTGTATATCACATTGTTCTGGAATTACAAGA  
TTGTTTGAAGCAGTTTTGAATGAAAACACAAGGATGAGGTTCTGCTTTTGTACCATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_992 AF034572|Glycine max proteasome IOTA subunit mRNA, complete cds

GACTGAGCGGTTTTCTTGCGGAGAAAGCTTTTTCGCGGCTCCATCGTCTATATTCATATTCTTCGAGCTCTCCAT  
TTCCCCCCCCACACACCCTAAACCCGTCGAAGCCCTAATTCATCCGAACTAGAAGCCATGAGCCGTGGAAGTG  
GAGGAGGTTACGATCGTCACATTACTATTTTCTACCCGAGGGCCGCCTATTTCAAGTCGAATATGCTTTCAAG  
GCTGTGAAATCTGCCGGAACCTCGATTGGTGTCAAAGGGAAGGATTCCGTTTTCGTTGTGACTCAGAAG  
AAGGTCCTGACAACTTTTGATCAGACAAGTGTAACCTCACCTTTTCTCCATTACTAAGTATCTGGGCTTGCTC  
GCAACTGGCATTACAGCTGATGCAAGATCACTGGTTCAACAAGCAAGGAATGAAGCAGCGGATTTCCGTTTCC  
GATATGGCTACGAGATGCCAGTGGATGTATTGGCTAAATGGATTGCTGATAAATCACAAGTCTACACCCAGCA  
TGCCTATATGAGACCACTTGGAGTTGTGGCAATGGTTTTGGGGATTGATGATGAGTATGGACCTCGCCTTTAT  
AAATGTGATCCTGCTGGTCATTTCTTTGGTCACAAGGCCACTAGTGTGGACTTAAGGAGCAGGAGGCTATTA  
ATTTCTTGAAAAAGAAAATGAAGAATGATCCTGCTTTTACTTATGAGGAGACTGTGCAGACTGCAATTTCTGCT  
CTTCAATCAGTGCTGCAAGAAGACTTCAAGGCCAATGAGATTGAGGTGGGAGTGGTTAGATCGGAGAATCCC  
ATCTTCAGAGTGTTGACCACTGAAGAAAGTGATGAGCATTGACTGCCATTAGTGAGCGAGATTGATCAACGT  
GATTAGTATGAAGCTCCCTGGACAAGCATATCAACAACATCCACCGCCTTTGTTTCAGCAGTCGGTTATCAATG  
CGTTGTGTGCTTTATATATTCAAGCTCTCGAGGTAGTATTTGCTTTTGAATCATTGTAGACATGGTGGTATTTCT  
ATTTTGTTTTACCATTACCTCAAAGAACACTCTCCTTTAGAATTTGTATTTTCATATTTTCAGAGGAACTCTCAGT  
CGTGTTACATTATTTAACACATAGAACAAAGTCTTTTGGCTATAAACATGATGGGAATTAGATTTTCAGAGACAG  
AAAGGTTTCTGGATGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_993 AY074586|Arabidopsis thaliana AT3g53630/F4P12\_330 mRNA, complete cds

AATATTTACCAATATAGATGATAATTCCTAATTGGAATAATTTGAATTGGAATCCTTTTATAATTTATCCTAATTT  
CTCTTAAAGATGGATAAAGGAATATAAATGCAAAAACAAAGAAGAAGCAAAGCCCGTGGTTCATCTAAAACC  
CCTCAAATTCATTATAGAAACCCTCTCGGCGATTTACAAGCTCGAACCAATTCATGGATTCTTCAACAAC  
AACGCCAATATGGACAACCTTTTCCTTCAAACCCTCATGGCGAGGCTCCAAATTAGGCCTCCAGTCAACTACAA  
CAACATCAACAATCCCCTTCTCTACAATCCCTTGAAGAACTTATCTTCGAGGCCGCAATCTCTCCGACGACG  
ACAACGACGACAACAAAACACCGCTCGCTAAAGAAGAATCGAAGCTTGAAAAAGAGATCATTGCGGTGATTC

TCGCCGAAATACTGATTCCCTAAAACCCAATTCAGGCCAAGCCGTCACGGTCGGCGAGCACCACGTGTGCGT  
GGGGTTTCACGAAGAGAAGGATTTCGGATTTTCGAGTTTGGGAATGGCACGGTCATATTATGTTGTTTGATGAA  
GAAAATGGATACTCGCCGAGTATATTTATGGGAATTACTTTGAGAGGCTTCAGAGGCAGGTGGTCAACCGT  
GAGTTGAATAAATGGAAAGAGGAAGACGAGGAAGACGAGAAAGAAGAAGATGAAAAAGAGGAGAAGGTG  
GGCGACTTGGGTCTTCGGGAGCTGATTGATGGCGGCGATTTCGAGTGTGCGTCGAATTCTTCATCGTAATGTTA  
ACCCCACTTCTCAAAGGAACAGGTTTTAATGAGCCGAGTTGCAGTCTTTCGTTCAATATAATAAGTTCAGATAC  
CTATGGACGCTGCTATGGACTATTGTCTTACAATTTGCACCTGGGTGTTTCTGCAGTTAGGACACTGAACTTGT  
GTGTTCTGAAAAGTAAAGGAGACGAATACATAGAGTCAGCAACTTTTTCTCTGTTTGATGAGTTTCTTCTCCAT  
CGTTTTTAATGAACATTTGTTCTTAGCTCTTACAAGTTCATTGTGCAAGGATTATTTGCCTGTTGCTTGATTTTTC  
CATTTTCATCTTTTTGTTTCATGAGAATTTACAAGATGTATTTCTCAATGGTTATAAATGCTATAATATTTAACT  
TTGGATACATTTAATTAACAATCCTTACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_994 XM\_002871116|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein synthesis initiation factor  
eIF2 alpha, mRNA

CTCCCAGGATTAGGTTTTCGTTTCTTGCATTCCCCTCGAGTTCCACCAGCTTTCGCGACAGCGTTTCTTCACTCGC  
CGATTCTCCCTTTTTCACTTGTGTCGATCTTCTCATCTCCCTCAACTCGCCGTTCTCTACCGTCGATCTCCCTCAC  
GGCAGTTCTCTCATTGTAGTTCATCGATTTCCGGTGGTAGTGAGTACAAACACCAAAGAGCCTTCGACCATG  
GCTTCCCATTTCCCTAACCTCGAGTGTGGATGTACGAGGCAAAGTACCCAGAGGTGGATATGGCTGTCATGA  
TTCAGGTCAAGAACATCGCCGATATGGGCGCCTACGTCTCCCTTCTGAATACAACAATATCGAGGGTATGATT  
CTTTTCTCCGAGCTCTCTCGCCGTCGAATTCGTAGTGTGAGCAGCTTAATTAAGGTGGCCGTATCGAGCCCGT  
CATGGTCCTTAGGGTTGACAAGGAGAAGGGATATATTGATTTGAGTAAGAGAAGGGTGTCTGAGGAGGATA  
TTCAGGCCTGTGAGGAGAGGTATAACAAGAGCAAGCTCGTTCACTCTATAATGCGCCATGTTGCTGAAACTAT  
GAACATTGATTTAGAGGACTTATATATCCATGTTGGATGGCCTTTGTACCGGAAATATGGTCATGCTTTTGAGG  
CATTCAAGATCATTGTAAGTACCCTGACTCAGTGTGTAATTCTTAACCCGTGAAGTCAAGGAAGCTGGTCCT  
GATGGACAGGAGGAACTAAGATAGTTCTGCAATGTCCGAGGATGTAAAAGATGCACTAATAAAAAATATT  
AGAAGAAGAATGACTCCCCAACCTTGAAGGTCCGAGCTGATATTGAGATGAAGTGTTCCAATTTGATGGTG  
TTCTTCACATAAAGGAAGCAATGCGTAAAGCTGAAGCTGCTGGAAATGATGATTGTCCTGTTAAATTAATTT  
GGTTGCTCCTCACTCTACGTCCTTGCTACTCAGACACTTGACAAGGAGCAAGGAATCACTGTTCTTGAAAAAG  
CAATTGCTGCTTGCACTGAGGCAATTGAGCATCACAAGGGAAGCTTGTGGTGAAGGAGACACCCAGAGCGG  
TAAGTGAAAGAGATGACAAATTGCTTGCTGAGCACATGGCGAAGCTACGACAAGACAATGAAGAAATCAGTG  
GAGATGAGGATAGTGAGGANGGAGGAAGACACAGGAATGGGGGGAAGTCGAT

>trans\_c\_995 D31700|Glycine max mRNA for cysteine proteinase inhibitor, complete cds

GATCGCTTCGTGGCGCAGTTACCTAGTTGGCACGAATCCCATTTTACGATCGTGGCGCCAAGAGAGGGAGAG  
AGCGATTCTCATTATATCTCACCGCGAAGAAGTTTTTCACAAAATCGAAAGAGATGAAAGGAACTCTGAAAA  
TCTCTCCTCTGTCATGAACAGCCATTCTTCCACTTTGTGTTGTTGTTGTTGCTGCTGTTTTTCTTGGATCATC  
GTTCTTGACAGGTAACGCATCAGCTCACTTTTGCCTGAGCAGGACGATCCACTCCTTATGGCGTCCCACTTGG  
AGGCGTTTTCGATTCTCAGGGAGCTTCCAACCTCCACCGATGTCGATGAACTCGCTCGTTTTTGCCGTCGAGGAA  
CACAACAAGAAAGAGAATTCATTCTCGAGTTTGTGAGAGTCGTGAAGGCGAAAGAGCAGGTAGTTGCTGGT  
ACACTACACCATCTTACTGTTGAGGTGGTTGAGGCTGGTAAAAAGAAGCTGTATGAAGCTAAGGTTTGGGTG  
AAGTCATGGATGAATTTAAAGAATTGCAAGAGTTTAAGCATGCAGGCGATGTCCCCTCAATTTCTCCTTCTGA  
TCTTGGTGCAAAAAAAGGTGATCATCCCAGGGATGGCGTGAAGTGCCACCACATGATCCTCATGTTTCAGGAT  
GCAGCACAGCATGCTCTTGAACGATCCAGCAGAGATCTAATCTCTAGTCCCGTATGAACTGCTGGAGATCA  
TTCATGCCAAAGCAGAGGTGATCGAAGATGCTGCGAAGTTTGATTTGCTCCTAAAGCTGAAGAGAGGGAGTA



AAGAAGAGAAGTTCAAAGTGGAGGTCCACAAGAACAATGAAGGTAACCTCCTTCTAAATCAGATGGTGCAAG  
ATCATTCTAAAAGAGTTTGGATTGTTCAATATAATTAATAAAAATACAAGTTTATGTACGATAGAACCTTTAA  
AGCTGTATACTTCATAACTTCTTTTGAAGCTCGAGTCGTCCGGCTGATGCATAAAAAGACCATGATAAATGATG  
TAGCCACTATTTAATTAGGTTCTGGATCTGTGGTTTCCTTTTCTTCTGTTTTCTTTAATCCTTTCTTGAATTGTATG  
AACAACAAAACATAGGGATCGTGGGTATACTCTCGATTCTGGGTTTACACTATAATTTGTTTCGTATGAAGTGA  
ACCTAGAAGGGTTTCTTAGGGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_996 AM746118|Populus trichocarpa partial mRNA for D3-type cyclin (CYCD3;3 gene)

TCCTCTCTCTTTCTTTTCCCCCTTCTCTTCTCTTCTTCTATCTTCTTCACTGTTTCCACTTCCGGCGGCCATGGA  
CGCCCATTTAGCTTCTTTTCTCTTTTGAAGTATTCTTTTCCAAGCTTTCATTCTATGGCAATGCATCGGTACGA  
ACAAGCTGATGATGATGCTCAAACCCATTTGTTTCCACTCGATTCTTTGTTTTGTGAGGAGGAGAAATGGGAG  
GAAGAGGAAGATGAAGCTGATTTAGAACAACCCATCACACCCATTTGTTTTCTTTGGGTTTTTTGGAGGAAG  
ATCTCTCTGGGGATGATGAACGCCTTCTCTCCATGTTGTCTAAAGAAACGGAGCAGCTAAAACAGACCAATCT  
TGAGCTTGAAGCTTTGTTGATGGATCCCTCTGTTTCTGCTGCTCGTTCTTCGGCTGTTCACTGGATGCTCAAAGT  
TCAATCCCATTATGGCTTCTCAACTCTCACTGCCATTTTGGCTATTGCTTATTTTACAGATTCTCTTGGAGCTTC  
CATTTTAGGAGCGACAAGCCATGGATGAACCAACTGTGGCTGTTACTTGCCTCTCTTTGGCGGCTAAACTGG  
AGGAGATTCAAGTTCCTTACTCTTGGACCTTCAAGTAGAGGATGCCAAGTATGTATTTGAGGCTAAAACCAT  
CAGAGAATGGAGCTTCTAGTGCTCTCAACTCTTCAATGGAGGATGCATTAGTGACTCCATATTCTTTTCTTGA  
TCACATTGTGAAAAGGCTTGGGTTGAAGAACGATCTTCACTTGGAGTTTTTCAGGCGTTCTGAGTACCTTCTCC  
TTTCTCTACTTTCAGATTCAAGGTTTGTGGGGTATCTTCCATCTGGCTTGGCAACTGCAACAATGATGGAAGTG  
ATAGATCAGATTGAACCTCATAAGAAATTAGAGCACCAAGATAAGCTTCTGGGTGCTCTCAAATGAACAAGG  
AAAAAGTGCAATGCTGTTACAATCTTGTGTTGGAGCATTCAAAGACTTATGTCGATGGCTTTTATCATCCTATC  
AACACCCACAAGCGCAAGCATGAACAACAAGCTCCTGATAGCCCAAATGGCGTGATTGATGCAGGTTTCAGTT  
CAGACAGTTCCAACGATTATGAGGATTCATAGCAACATCTGTTTGTTCATCTCCTGAACCTTCTTCAAAAAAG  
CAATCTGAACAGCCAAAGATGAAGATTCATTCTCTTA

>trans\_c\_997 AF074940|Glycine max ferric leghemoglobin reductase-2 precursor mRNA, complete cds

GAGCCAGCTGCCGGTGGAGACCAGACCACTCTCGAGGCTGACGTTGTTCTTGTCTGCTGGTAGAACTCCAT  
TCACTTCTGGACTTGGACTCGAGAAGTTAGGAGTGGAACCGATAAGATAGGTTCGATTCTAGTAAATGATA  
GATTTGCCACAAATGTGCCTGGAATCTATGCTATTGGGGATGTAATTCCTGGGCAATGTTAGCTCACAAGGC  
TGAAGAAGACGGTGTTGCTTGCCTGGAGTTTTTGTGCTGGTAAGACAGGTCATGTTGACTATGACAAGTCCCT  
GGGTTGTATATACACATCCTGAGGTCGCTCTGTGCGAAAGACAGAGGAGCAGGTGAAGGCGCTTGGTGTG  
GCCTATCGTGTTGGGAAGTTTCCATTATGGCAATAGTAGAGCTAAGGCAATCGATAATGCTGAAGGTATTG  
TCAAGATATTGGCTGAAAAGGAAACAGACAAGATATTAGGAGTGATATAATGGCGCCTAATGCAGGGGAGC  
TGATTCATGAGGCAGCTATAGCTTTACAATATGATGCTTCAAGTGAGGACATAGCCCGTGTGTTGCCATGCACAT  
CCCACAATGAGTGAAGCAGTGAAGGAAGCTGCTATGGCAACATACGACAAGCCAATTCATATATAAGACACA  
GTTAAACGTGTGTTATTCCATTTTTTTTCTTCTTAGTCCATATTTTCTTTTTATCAAAAGGAGCTTGGAGCTTTG  
AAATGACTTTCTCGGGTCATTTATTTTCTTGTCACTCTCTTCAAGTGAAGGGTTCGAAGTGTTCAAATACACAT  
TTGCTGTTTTTCAAGCTTTTGTTCCTGCTGATTAATAATGTTGTGCTTTTTTATACTCAATTTTCAAATAACATG  
GAATCAGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
GGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTAAAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCCCCCCCCTTTCCCCC

AAAAGGGGTTTAAATCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCCGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGGTTCC  
CCCCATTTAACCCCTCTGCAAAACCCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_998 AY336944|Eucalyptus gunnii tocopherol cyclase (Sxd1) mRNA, complete cds

CAAGGAAGTCGATCCAGAGGAGTTCAATAAAAAGGTAGTGGAAGGTTTTCAAGTGA CTCCACTTTGGCATCA  
AGGATTTATTCGCGATGATGGCAGGACAACTATTTGGAAACTGTAAAACTGCTCGTTGGGAATACAGTAGT  
CGCCAGTTTATGGCTGGGGAAATGTTGGATCTAAGCAGAAGTCAACAGCTGGCTGGCTTGCAGCCTTTCCAG  
TATTTGAACCTCATTGGCAAATATGCATGGCAGGCGGGCTATCTACAGGTTGGATTGAGTGGGAGGATGAAA  
GGTTCGAGTTCGTAAATGCCCTTCATACTCTGAGAAGAATTGGGGTGGAGGATTTCCAGAAAATGGTTTTG  
GGTTCAGTGTAATGTTTTGAAGGTGCTCGTGGAGAAGTAGCTCTTACTGCTGGGGGAGGGTTGAGACAAC  
TCCCGGATTAACAGAAACCTTTGAAAATGCTGCATTGGTTGGAGTTCCTATGATGGAATTTTTTATGAATTCG  
TGCCATGGAATGGGACTGTAACTGGGAAATAAGTACTTGGGGCTATTGGTATATTGCTGCTGAAAATGAAAC  
CCACAAGGTTGAATTAGAAGGAAAAACAGATGTGCCTGGTTGCGCCTTGCGTGCTCCTACATCAGAGTGTGGC  
CTTGACACAGCTTGCAAGGATACATGTTTTGGTACATTGAAATTGCAAATATGGGAACGGAGGTTTGATGGCA  
GCAAGGGCAAGATTGTA CTGGATGTCACAAGCAACATGGCAGCACTGGAAGTTGGAGGAGGACCTTGGTTTA  
ACACATGGAAGGGAGAACTACAACCCAGAAATTCTTAAGCGTGCTCTTACAACACCTATAGATGTGGATCG  
AGCTTTTAACTTGCTTCCACTATTCAAACCCCCGGGCTTGTAGCTGATGCACATCCATGCCTTGCGAATTCCTA  
TCGATTTTCATGTGAGTTTCGAGCAACCTTCGTGACATACAGACTAGTCCCTTGAACCTCCCCAACGCCTTGCAA  
GGTACTGCTACTTGTCTATGAAAGGGTTCAGCTCATTTTGAGTTAAGAACATGTGACCGACCTTAACATTGAAT  
AGTATATATAGTCATCAATTCTTGTGGAGCTTGAATAGTTTTAGGACTAGGAGAACTAATTGCTGAGTATAG  
CAAAATGAATCCCAATATTTACCAATATAGTAACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_999 AL161561|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 61

AGTGAGGGAGTCTTCTTCTAAACGATTCGAGCGCGCAACCCCCCTCTCTCGCCACCGCGCAGCTTGCCGTC  
GACAACGCGGCCGAAAAACCGAAGTCACCGATTCTCCCTTTGTCTCACCGATATTTCTCTTCTCTTATCGACC  
ATCACCGTCCATTTATCGGAGTACGTTTCGACGCATTGCCACCGTCAAACCTCGAGGTCGGATCTGTCTCCCTCT  
GCTAGTTTCGTCTTCTCACAATCGTGCCATTCAAATCATCAAACGTCGATTTTTCGCTAAGTCTAGAAGTTTT  
GGTTGGAATTTGGATTGAGAAACCTGAAATGTCACCCTCTTCTACTCATCAATTCCATCAATATTCACCTGACC  
AGAGAACGTTCTATGCACGAGGTGATAGTGAAGCTGGTGGCCATGGTAGCCAGGAATGCCTAGACCTTATG  
CTGTGAATCAAGGAGATCCACATATGTGGCGTGGACCGAGAAGGCCATTTGTCAACCAAGTCCCTACCCATCC  
ACCGAGGGAGATGAACTCCTCCAGCCATGTATCTGGACCAAGAGGTAACCTTTACACCAATCCTACTCAAGAC  
AGGGCTAAGTACCGTAGTTCTAGCCCTAACCCAGGGTTCATGGCAGTTTAAGTCCAGGTAGAGGCAGCCAT  
GGACATCATGGCAATATGACCCCTAGTCCAAGATTTGGCTATGGACGAGGTACTGGTTTTTCATGGTCGTCATT  
CTTTATTGGACAAATCTGGACCAGAACAATTTTACAATGTCTCCATGCTTGAAGATCCCTGGAAGTTCTGCAA  
CCTTGTATCTGGACGACAATTGATTCATCGAGTAACTCTGCAAAACCTTCGGAATCTTGGATTTCCAAGTTTGG  
TACAAAGAAAGCAAGAGTTTCAGATTCTCTTCTGGCAGGTCTAGCTCTCAACAACCTAGCCTTGCCGAGTACC  
TGGCTGCCTCCTTCAAGGAAGCAATCGAGGATGCACCAATGCATGAAACATTTTATTCAGGCATTTTCATCCTT  
ACAGTAGTACTTGAATTCAGCATTGTGCAAATCCCAGCCTAATTTTCTCTATAGACTGGTTTCATGTTGTAAAT  
CTATAGTGATTATTATGACAGTTCTGTCTCTATGTTATGTTTAGTTAGTGACGTTCTTTATCTATCTTGTTAGGT  
TATGTACATGGATTAAGCTTCTTTTAAATTTTGTGTCCAAT

>trans\_c\_1000 NM\_115735|Arabidopsis thaliana vacuolar ATP synthase subunit D (VATD) / V-  
ATPase D subunit / vacuolar proton pump D subunit (VATPD) (AT3G58730) mRNA, complete cds

GTCTGATTATTGGCGAAATTTCTTCGGCTTCGGATCGGATCCCTCTGGAGAGTTGAGCAGAGTCTACAAAAT  
CGCTGTCCATTTTGAATCTCGGTCGATTCAATTGTTCCGATCTATTCCATTTGTTTGCCGACGAATCTCCGGTCA  
TTCCTACTTCTCCGACAGCAGATATCGAAAAAGATGTGGGCCAAACCCAGCGTTTGAATGTGGTTCCGACA  
GTTACAATGCTTGGAGCTATGAAAGCTCGTCTTGTTGGTGCAACAAGAGGTCATGCTCTCCTCAAGAAGAAGA  
GTGATGCTTTGACTGTTTCAGTTCGGTCAGATACTTAAGAAGATTGTTTCAGCCAAGGAGTCAATGGGAGATGT  
CATGAAGACATCTGCATTTTCTCTCACCGAAGCAAAATATGTTGCTGGTGACAACATCAAGCATATTGTCCTGG  
AGAATGTCCAAACTGCAGCTATCAAGATTCGATCTCGACAGGAGAATATTGCTGGTGTGAAACTCCCGAAATT  
TGAACATTATTCTGATGGTGAGACCAAAAATGATCTCACAGAGTTAGCCAGAGGTGGTCAACAGATCCAGTTG  
TGTCGGGGCGCCTATGTTAAAGCAATTGAGGTTCTTGTTGAGCTTGCTTCACTCCAGACATCATTTTTGACCCT  
TGATGAGGCAATTAACCACAAATCGCAGGGTCAATGCTCTTGAGAATGTTGTGAAGCCAAGGATCGAGAA  
TACTATAAGTTACATTAAGGGAAAATTGGACGAGCTGGAAAGGGAAGATTTCTTTAGACTGAAAAAGATACA  
GGGGTATAAGAGAAGGGAAATTGAGAGACAACGAGCCAACGCCAAGCTATTTGCTGAGGAACAACCTTGCTG  
AGAAGGTATCTTGCAAAAGGGTGTCTCCATAAGTTCAGCTCACAATTTATTGTCTGCAGCCGCTGAGAAGGA  
CGAGGATATTATTTTTGATTGTAAGGTTAGTTGTTTTTCAAATGCGTGGCTTCGTTTGCTTATCTATTGTC  
AAAAATTTATTTGGTGACTTAGGTGGCTCAAGGAGTAATCTCAATAAAAAATTATAAGCTCTAGCCATAATGTAT  
TTATTTGATTCTCCGTCACTTTCAAGGCTTTCATGTCTTGTAACACTTCTTCACTTGACAGTCTTCACTTTTTTG  
AGATAAAAAATATTTTGTTGTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1001 AF197330|Eucalyptus grandis calcineurin-like protein (EgCBL1) mRNA, complete cds

AGGGTCAGATTTACAATTTCAACAGATTTTTTTTTCTTTTTTTCTATAGAACTCAGATCATTTTCATGCAAGCAAA  
AACAGCTAAGGGCGCAGTTCTCAGCCCCAGATCGGGCAGTTCTCTCCTTTTTGATCTGATTCTGTTTGATTCT  
TTGAAATCTTTTTATGATCGATCAACAAATAACTCCACAGAATTCAATTAATTCGTCCACTTAATTTGATAAGTT  
TTTTGGTCTTCAGCGATTCTATAGTTTGTTTTGATTCTCCCTTTTCTACTATAATAGTAAATTCCTTGTAATCTA  
CCTACATTTTGCCTCTTCTCGAGGTGAGAAGGTAGATTTTGATTGCGCGTGTATTGAATCTCAGCAACAAAC  
AATGGGAAACTCCTCTTCGATGCTCACTCAATATGATATTGAAGAAGTTCAATGCCACTGCGATAATCTATTTA  
CGCAACAGGAAATAGTGTCACTGTATCAAAGATTTGTCAACTCGATCGAAACTCAAAGGGATACATCTTGGC  
CGATGAGTTTTTATCAGTTCCAGAATTCGCTATGAATCCTCTTCTCAGAGGCTGCTAAAGATGGTTGATGGTT  
TGAACTTTAAGGATTTTCGTGGCATTTTTGCTGCAATTTAGTGCTAAAGCTAGCATCCAACGTAAAATTGAATTT  
ATGTTCAAAGTTTACGATGCCGACTTGAATGGGAAGGTGTCCTTCAATGACATGATAGAAGTGCTACAAGATT  
TGTCTGGTCCCTTCATGTCTGATGACCAAGAAAGCAAGTCTTGAGCCAACCTTCTGGAGGAAGCAGGTTACAC  
AAAGGAAGTCCATTTAACCCAGGACGATTTTCGTTAAGATTCTTGGAATTCAGCTGAAAATGGAGGTTGAG  
GTGCCTGTGATTAAGACGACTACTCAAATATTCCTTTGTCCTTCCCTTTCCCTTTTCCCTTTTCCCTTTTCCCTTTT  
CGAATGATACATTACTAGCTAAAGCGTCATCGTCATGTATCATTTCTTCGTATCCTCCTGTATCATGTCTTTCTC  
AAGCAATTTTCAGCATCGATGAGCAAGATCGATTCTTCAAACATGTTTCATTTATGCTCAATTCAAGCCTGTGGCT  
CACCTTTTGTAGACAGATACTGATTTCAAAGATTACGAACCATCTTAATGAAAATCTCTCTGAAACGAATTATT  
TCTGATCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1002 EF424250|Zea mays monofunctional aspartate kinase 1 (AK1) mRNA, complete cds

ATTGGGAAGGGGTGGTAGTGATTGACTGCTACAACCATTGGCAAAGCACTTGGATTGCGGGAGATTGAGGT  
GTGGAAAGATGTTGATGGTGTTTTGACTTGTGACCCTAATATCCATTGAGGTGCAGAACCTGTTCCCTTTTTGA  
CTTTTGACGAGGCAGCTGAACCTTGCTTATTTTGAGCTCAGGTCCTGCATCCACAATCGATGCGACCAGCTAG  
GGAGGGTGATATTCCTGTTCCGGTGAAAACTCGTATAATCCTCAAGCTCCAGGTAATCTCATCACCCGGAAC  
AGAGATATGAGCAAGGCAGTGCTAACAAGTATTGTTCTGAAACGCAATGTGACCATGTTGGATATTGTTAGCA  
CCCGCATGCTCGGTCAATATGGTTTTCTGCCAGGGTGTTTGCTATCTTTGAGGATTTGGGCATATCAGTTGAT

GTGGTTGCTACTAGCGAAGTCAGTTTATCCTTGACCTTGGATCCATCAAAGCTTTGGAGCAGAGAGCTCATTCA  
GCAGGAGCTTGATCATGTGGTTGAAGAACTCGAGAAAATTGCTGTTGTGAAACTGCTTCAGCATAGATCGATC  
ATTTCTCTCATAGGAAATGTTCAAAGGTCATCACTGATACTGGAAAAGGCATTCCATGTTCTTCGTACCAATGG  
AGTAAATGTTCAAATGATATCCCAGGGTGCTTCCAAGGTCAATATCTCATTGATTGTAAACGACAACGAAGCA  
GAGCAATGCGTTCGGGCTCTCCATTCGGCGTTTTTTGAGATTGATGGACTCAAATTAGATACAGGAGGATGCA  
CATCTCAAAATGGTTCAGTCTCAGCTAGCAACACTGCGTAGGCATTGTAGCCCATTTTTCCCGTCTCAAGAAGG  
AGCCAACTGCAGCAATCGGTATAATATTATATTATTGTCAAATCGGGCAACTCGAGTTAGTCTCTTCTATTGG  
TTTTGATTAGATAAACTGTGCTGCTATTAGTGTAGTATTTTATACTAATTCAGGAAAAAGAACAAAAGAAAAAT  
TAGGATTTATGTTTCATGGTGTACACTAAAGTTTCGTAAATGTTTTATGTGCATTGTTATGTCCTAGTTCATCTG  
TTGAGTTTATATATGTGAACATAATAAATAAATAACGTGCACGAGTTATAACTTACAATAATCTATTTTTCTA  
GGTGAATCTTTAAAGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1003 NM\_001048742 | *Oryza sativa Japonica Group* Os01g0180400 (Os01g0180400)  
mRNA, complete cds

CTTCTTTGAAATCTTATTCTTTGCCAAGCAATTATACAATCTCGTCACTTTCCAAAGCCAAAATTCCAAGCTCCA  
ATTCCGGAGCCACAGATAGTGTCTGTGGCAATGGAGAATTTCTGCTTTAGAATCTGAACCGCCCTTTGAAAAAT  
AATGCATCATTTTTGTCAAATGCTGCCAGCTTTTCTCCTCCGGTATCGACTTGACTCAAATTTCTGATCCAAGT  
ACTGAAAAATTTTCCACTGGAAAGTAATAACACCATCTTCCAATGATTAACAATAGCCCTCAAAGGGAAAAATTC  
TTTGCCAATCAAATCCTGTTCTTGCCTATTACTATTGGCTCAAGCAATGCTTATGTAGGCTCACTTACTGCTAG  
AGAAATAGAAGTTTCCGAGGACTATACCTGCATAATTTCTCATGGTCCAAACCCAAAGACAACACATTTTTTG  
GTGACTGTATTTGGAGTGTACACAGATGAAAACATCGGTTCCAGTACGATGGAAGAGCCTGGGACCGAAT  
CATCTCTGTTAGGAAGCTGCCCTGAAGGGTTTGGTCACGGAGTTGTGGATGCAAATTTGCAAATCTGTTACTC  
ATGCAAGAAAGTTTGAAGAAGAGCATGATATTTATTTATGCAGGGATGGAAAAGCTTTTTGTAGTTCACAG  
TGCAGCTCTCAGGAGATTTTGGAGAACATAAAATCAACAAAACCTTCCAAAGATGATAGTGAAAGCTCTGCAG  
CGTCAAGCTACCATGAGGAAGATCTCTTCATCATGGGTCTCCCATTTGCTTTATGACAGTGAGTTATAGTTTCC  
TTTCAAATCCTCCCACTTGGCGTGGTCGGTGAGATGACACAACAAGAAGAGGAGAGCTTTTGTTATAGTTTC  
TTTTCAAACCTCCCACTTGGCCATGGATGATCGCGCGGAGTTTACAGTTTTTTATTTTTTCTTTTCCGATTTT  
CTGCTTTCATGGTATTGGTGAGTGTGGAGTATAAAGATGAGAGCTTTTGGTTTCCCCTCTTCTTTGGGCAGAA  
TATAGATATGATCTTATATCTGTTTTTGCTTGCTTATTGAAGATTTTGATCCCATCTTTGTTAATCTTGGAGATCA  
TTTTGATGTTGTATCTCAAAGGCTTTTGTGACTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGGA  
TTTGTGTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1004 NM\_120049 | *Arabidopsis thaliana* dihydrouridine synthase family protein  
(AT4G38890) mRNA, complete cds

ATGGGATGCCCAATTGATATTGTTGTGAATAAAGGTGCTGGATCAGCTCTTCTTACAAAGCCAATGCGAATGA  
AAACTGTTGTAGAAGCAGCTTCGGGAATTGTGGATACACCTATAACAATTAAGGTTTCGGACAGGCTACTATGA  
AGGGAAAAACCGTATCGATTGCTTATTGCAGATATTGGTAACTGGGGAGCAAGTGCTGTAACTATTCATGGT  
CGGACTCGTCAGCAACGATACAGCAAGCTTGCTGACTGGGAATACATTAATCGGTGTTCTCATTAGCTCCTG  
ATTCTCTGCAAGTTATAGGAAACGGGGACGTATTTTCATATGCAGATTGGAATCAACACAAGGATGAATGCC  
AAAGTTAGCCACATGCATGATCGCTAGAGGAGCACTAATTAAGCCTTGTTATTTACTGAAATTAAGGAACAG  
AGAAATTGGGACATCACTTCAGGGGAGCGGCTAAACATCTGAAGGATTTTGTTCAATTTGGACTTGAGCATT  
GGGGATCCGACTCCAAAGGTGTTGAGACGACAAGACATTTCTTATTGGAATGGCTTAGCTACACATGTACATA  
TATTTCCCGTTGGTCTTCTGGAAGTTGTTCCCAACGTCTAAACTGGCGACCACCATCCTATTTGCGTCGTGACG  
ACCTTGAGACGCTCATGTCCTCTGACTCTGCAGCTGACTGGATTAAGATCTCAGAGATGTTGCTTGTTAAAGTT

CCTGATGGCTTCTCGTTCGCTCCGAAACACAAGTCCAACGCCTATGATCGAGCCGAAAATGGCTAATACACAG  
AATTCATCACCGTAAGGATATGAGATCGCTGCAATGCTGTTCTTGGTGCCAGCAAGGCCTTGCTGCCTACATC  
GCCAAGTTTAGTTTCAGCGGTTGAAGAGTTGACTTAGATTTTTCCACAAATTATTTATATATTTATGTTCTGATTA  
CGTCATAAATCTGATGCAGTAAGTAAAAAAAAAAGAAACAAAAAAGAAAGAAAAGATAAATCTTTTGTGCTG  
CCCTTTCTGCTGATTATTAATTTATTTATTGTTGTTTTATTTGATAAACTAGGTTTCTAGTCATCATTTTTATTA  
GTACATTTATTTTGTAGCAAAGGAAACAGAAATGAGCATGTTTTCTAGTTGCATAGGTTAGAGACGAGAGTTT  
GGCAAATTAACATTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1005 AB099931|Malus x domestica Md-H1 mRNA for histone 1, partial cds

ATCGCAACGAAATTACGAGTAACATATCAAATAGCTTATCTTTCTTTTCTTAAGATCCCAAATTTTCATTTTCGAT  
AATCTTCTTCTCCCTAATCCATTTCAATTCTTCCGTTTTTTCAACCCTAATTCCACTTTCTATTGTTGGATTTGA  
TCTTGTTTCTACTCCAATGGCTACTGAGGAACCGGTGGTGCCGGTGGAGTCTGCGGCAGAGCCGACTAACGCT  
GAACAAGCGGAGGAAAATCCGCCGAACAAAGCTGCCAAGTCTAAGAAGTCGAAAGAACCTAAAGAGAAGAA  
ACCTGCTGCTCCTAGGAAACCTAGGAATCCTCCAATCATCCTCCATATGAAGAGATGATTAAGGATGCAATT  
GTTACGTTGAAGGAAAGGACTGGTTCGAGTCAGTACGCGATCACTAAGTTTATTGAAGAGAAGCAAAAGCAA  
CTTCCATCTAACTTTAAGAAGCTTTTGTTATTCATTTGAAGAACTTGTGGCTTCCGGGAAGTTGGTGAAGGT  
TAAGAGTTCGTTCAAGCTTAAACCGGCGAAGTCGGCAGTTGTGAAGCCTGCTTCTCCTGCGAAGAAGAAGCCT  
GTAGCTGCTAAGCCGAAGTCTAAAGCTGTAGCTAAGCCCAAAGCTGTGGCAAAATCTCCTGCGAAGCCGAAA  
GCTGCTGCAAAGCCGAAGCCTAAGACGACTGCCAAACCCAAAGCTGCTCCTAAACCCAAAGCTGCTCCACCCA  
AGTCAAAGAGCAGTGCTGTGGCGAAGCCCAAAGCTGCGGCGAAGACTAAAGCCGCTCCCAAGCCGAAAGCC  
AAGGAAAAGCCTGCGAAGGCTGCTAGAACTTCGACAAGAACCTCACCAGGAAGGAAGGCACCAGCTCCAAA  
ACCGGTAGTGAAAAAGGCACCGGCGGCGAAGAAGGCTCCATCAAAAAGCGTTAAAGCAAAGAAAGTGAAAT  
CGCTGGCGAAAAAGGCTCCTTCTAAAAGAGGAAGCAAAGGGAGGTAGATTCTGGCGGCGGTTCTGTCAATCC  
GTAATCCTTCTGGGTGTATAGACCCTTACATGCCGTGCTATAGAGGAGCTTACCTTTTGAATTTTTTCTTTAT  
TTGTTAATTTGTAGAACTTTTTTTTTCTCCCAAGTTGATGTATCACTCAGCTTAGTTATTAATGGAAATTCAGTA  
ATCAATTAGGATTGTTGATTTCAAGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1006 XM\_002323988|Populus trichocarpa oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family  
protein, mRNA

AATCAACTCAAACCCATTTATTTTTATTTCTTTTTCTTTTCTTTTCTCGTAAACGGAAGAACCCTTGAATCGTT  
GAATTCTTTTTCTTGTTCAATTCATTTCTCCGATTTGATATCGGAGAAACAATCATGGATTCTCGACCATTCCTC  
GCATTTTCTCTGCTTTCTCTCCGTCTTACCGCCTTCGCTCGCTTGCCGGAACGCGTATGCTCAAGCACTCC  
TACAAGCAATCAACTGGATCTGTGCTTCGATTGAAGACGGATTCACTCTCCGCTCATTTTCGATCCAACACGAGT  
CACTCAGCTCTCTTGGCAACCCAGGGCATTTTTGTATAAGGGATTTTTATCTGATGAGGAATGTGATCACCTAA  
TTGATCTGGCTAAGGATAAATTAGAGAAGTCAATGGTAGCAGATAATGAGTCTGGTAAAAGTGTAAGTAGTG  
AAGTCCGAACGAGTTCTGGCATGTTCTTCGGAAGGCCAGGATAAAATTGTTGCTGGCGTTGAAGCTAGGAT  
AGCTGCATGGACACTTCTCCAGCAGAAAATGGAGAATCCATTCAAATTCTTCACTATGAGAATGGTCAAAAG  
TATGAACCACATTTTGATTTTTTTCACGACAAGGTGAATCAGGAGTTAGGTGGCCACCGCATAGCCACAGTCTT  
GATGTATTTATCCAATGTTGAAAAGGTGGAGAAACCATCTTCTCAATTCAAGAGTTTAAAGAATCTCAAGAA  
AAAGATGACAGCTGGTCTGATTGTTCTCGAAAGGGTTATGCAGTTAAAGCGCAGAAGGGCGATGCGTTGTTG  
TTCTTCAGCCTACATCTCGACGCAACGACAGATGAAAGAAGTTTGCATGGTAGTTGCCCGTAATTGAAGGCG  
ACAAATGGTCTGCAACCAAATGGATTCATGTGAGATCCTTTGAGAAGCTACCTCGTGTAAGTAGGCAGGATTG  
CGTGGACGAGAACGAAAATTGCCCGGCATGGGCAAAAAGGGGAGAGTGCAAAAAGAACCCTACTTACATGG  
TGGGTTCTGAAGGTGCTTTAGGATACTGTAGGAAGAGTTGCAAAGCATGCTAAAACCCAAACCCTAGGAGGA

GGAAGAAGAAGTAATCGCCATATCTCTCTTTCTTTTCTGTTTTGGTGAGCTTGAGTGTGCGATTTTGTAATGGCT  
ATGTATATAACATTGGGCAGCAACTTGTTATTATAATACTATATACAA

>trans\_c\_1007 AF124369|Nicotiana tabacum NT3 mRNA, complete cds

AAAGAGAGAAATCCCAACAAAATTGACGCGGGCGGCCGCGGAGTCTTCTTCGTCTTCTCGCGCCCTGAGCTT  
AGTAAATCCGAAACTCAAAACCTCTATTGTTCTGTCGTGGTGACAATGGCGGCTAACAAACAATAATGGGGATAT  
CCTAATGCTCGAAGCTCCACCGCAGCCATCTCAACCAGCTTGCGCGTTTCTGCAGATGCGGAGGTTATCGAC  
GCTTTGCCCTACATTGACGACGACTATGCCGACCCAAGGGTCAAAGCAGAGGTCGATCGCTTGGTCGAGGAA  
GAGATGCGGCGTAGCTCCAAACGACCCGCCGACTTTCTCAAAGACTTGCCCTCCTTCTTAAGTTAAAAATTCGA  
GGATCATCCGATGCTTGCTAGAGAGTACGAGCGTGTAAGAGCTGGGAGGCCTCCAGTCCCTCTTGATGTTGCA  
AGATATAAATTAGAGACACCACCTCCAAATAAAAAGAATGACGAAACTGCTTGGAAGCAGACACTTCAGAAA  
GCTCAATGCTTGCTCCGTCATCAAGTGCTGAGGCTGGAAAAATTTGGATCTGATGTCAAATATGGCCCTGATA  
TCTGGAAGCAACACAACAACAACACTGGAAGCACTTCTATCAAGAATGCAAAAATTAGCTCAGGAACAGAATG  
AGAAGATTGAAAAAGTGAACCGTGAAAGGAAATTCATCAACAAACGCTGCATATGAGCTTCATGCTCTGTC  
CACGCAATGGAAGGAGCTTTGTGAGAAAAATATGGAAATCCAAGTGGCATGCTTCAATTAGAGGGTCAAAT  
CCAGGAATTAAGGAGAGAAGCAGCAGAAAAAGGGCTGGAATTTGGAAGTCAATGTAGAAAATGGTTCTGTTTC  
CCTTCCAGTATCATAAGGGGAGCGTCTTAACCATGGTTTTTGTACTCAAAGTAAAGACTCCCAACGTCTTTT  
GTTGCCGTTATGATATGCCTACATGGAAGATGAGTTAGATTTCTGCTTATTATAAGAGGTTGGTTGCTTTTCTT  
GGCTCCAAAGTTCGTGTCAATTTCAAATTTTATATTGAATTGATTTGTATCTGTACCTTTAGTGAAGTAATTTG  
AAAACACCTACTTCTGCTAACCGTGTTACTTGGTTACTCTTCGACTTGAATATAGATTATTGTGTAaaaaaatatt  
TAACCCAGACTATCTATCAAATGGTTAATATTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1008 EF185416|Citrus sinensis ethylene-responsive element-binding protein (EREBP)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTAAATTTCTATTTTCCCTTCTCGCCGAGATCAATCTCTTTTCAGTGATTCATGTTTTTCTCCGAT  
GGGCAGAGAAGGAAAAGGGAAAGGAAAATTGAAACCAAAAAGGTCTTTCTTTTCTTTTAGATTCAATTTGAG  
ATCTTTCAGGGATAGATATTATTGTTGCGGTATATTTTTTGAAGATGGGAGCTGAGAACACCTCGAAAACGA  
CCCCGAAAGTGGAGATTGGAACAAGAAGTACGAAACCCAGGTGGTGTGAACGTTTATGATCTCACCCCTG  
CCAACAATTATTCTATTGGTTTGGTTTTGGGATTTTTCATTCGGGTATTGAAGTCCATGGCAAAGAATATGGG  
TTCGGAGCTCACGACTTCTGCTAGTGGAGTTTTTGAAGTAGAACCAAGAGCTGTCCGGGTTTCATATACC  
GATGTTCTGTACGTTGGGACATGTTGATATGCCTCCCTCTGAATTCAGAACGTTTATTGAAACTATTGCTTCTG  
AATATCATGGAGATACATATCATCTTATTTCCAAGAACTGTAATCATTTACAGATGATGTCGCATGTAGATTG  
ACTGGGAAAAGGATACCTGGATGGGTTAATCGGCTTGCTCGGATGGGTGCTTGTGTCAGTTGTTTGCTTCCTG  
AAAGTCTTCAAGTAACTACGGTCAAACAATTGCCCAGTTCCACGAATACTCAGAGGAAGAATGCATCTCCGA  
GTCTCTGTCACTCAGCACTCGGCAAGTGTCGGCAGAAGTCGATGACGATGAGGAGAGGCGGCTGCTGACACT  
ATCGCTGGGGCTACCGACGTTGCTTTGTCAAAGAATCTCACAACCTGAAGGAGCAGGCAGACAGTCTCTTTT  
ATTGCTTACAAATCTCATCCAAGCGCTCTATAAACCTGTCTCGATTGCAAAAGTAATATCTGTTTCGCTCTTT  
GTATCAAATGGTTGGAATAGATTGTTTGTTCATTAAAGTAGCTGTTGATACTTCGAGCTTTAATCGACCCA  
GGAAAGTCTAGAGATCAATTTGTATGTTGTTTCATTCCATATCCTTAGAAAATGATGAGACTTTTGTCTCAGTTT  
GCAAAACAATTCTTAGATATTGAGTTTCTATATCATATTATATCACAACATTGTTACTTAGTATTATGCTATAAC  
ACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1009 NM\_001036118|Arabidopsis thaliana SR33; RNA binding / protein binding (SR33)  
mRNA, complete cds

ATCGAATATTTCAATTTATCTTCTGAGCCCTAATTTCTTCTTTCTCTGCCGCCGATTCACTCCCTCTTCAAGCTCC  
AGCGAGATTCTTAGACAGCGGGCCTTTGTCTTCAGTTGCTGTTCAAATGAGGGGCAGGAGTTATACTCCATCG  
CCGCCAAGGGGTTATGGAAGAAGGGGTCGTAGCCCTAGCCCTAGGGGGCGCTATGTGGGACGTGGGAGAG  
ACCTTCCTACTAGCCTTCTAGTTCTGTAATCTTAGCCATGACTGCAGGCCTGAGGATCTTCGTAGACCATTGGA  
CAGTTTGGTGCTATTAAGGACATATACCTACCGAAGGATTATTATACTGGAGAACCACGAGGTTTTGGTTTTGT  
TCAATATGTGGATCCTGCTGATGCTGCAGATGCTAAACACCATATGGATGGCTGTGTTCTTCTTGGTCGGGAG  
TTGACTGTGGTATTTGCTGAGGAAAACAGGAAGAAACCATCTGATATGAGGGCAAGAGAGAGAGGAAGTGG  
GCGATTTCATGATCGAAGAAGATCTCCTCTGCGGTATTCTCGTTCACCTCGATATTCACGTTCCCCGGCTCAAC  
GGCGTGGGAGGTATTCTCGTTCACCAGCTCCACGCCATGCAAGGTCTAGGTCTCGTAGTTATGATTATGCATC  
TCCACCACCAAAACAAAGGGCTTACTCAAGATCAGTGTCCCCTCGTGACAGACCAGACAGTCGAGAGAGGTCT  
TTCCACGACAGGAGAGCCGTGGAAGATCGTACTCCCGATCTCCACGTCTAGACGGTTCAAGGAGTAGGAGT  
GATAGTCCAACACGAGGTGCAAGTCCAAGCCCTGTAAGAGGACGAAGCCTAAGTAGGAGCAGGAGTAGGAG  
CAAAAGTGTTAGCCGGAGCCGGAGCCGTAGTCCCCAACATAGTCCAAGACATGAAGAAGAGTATAGAAGTGA  
GCCGAATGGTGATCGGAGCCCAGGTCAATAGGCAAGCAGTTCAAACCTGGGAAACTACAATTTACTATTGCCA  
CTGTTTAATTTGATGTTTCCGCTATAGACATCATTTCTTAGTATTGTTGGCTAGCGTTTATTGTTCTTGGGAATTT  
GTGCTTTATCAAAAATTGATTGTTGAGTACTTTTTATTTTTATGCTGTCTTTCGTGTGTTGCGATTGACACTTTACT  
ATTTTCTTTTTGAGCTCGTTTTTATATAGTTTGCTTTTGTATGCCACATAT

>trans\_c\_1010 NM\_124139|Arabidopsis thaliana ATNUDT2 (ARABIDOPSIS THALIANA NUDIX  
HYDROLASE HOMOLOG 2); ADP-ribose diphosphatase/ NAD or NADH binding / hydrolase (ATNUDT2)  
mRNA, complete cds

ATCTCTGTTCTTCATTGCCAGGCATTGGGGTCGGAATTCAGCTTCGTTTTGCAGTAAATCCTTTTCAGTTTCT  
GCTAATTAGTCAACATTCTTCATGGAGCAAGCCCCAACTGCTAATTATGTTCAACGTGTTGAACTACTTGATGC  
AAACGAGGACGATCATGGAGGCGTTATTGTGGAATTGGATAAACCTATGAACTCTGAGGTCTTTGTACCTATC  
CTTAGAGCTTCAATTGCACATTGGAACAACAGGGAAAGAAAGGCGTTTGGCTTAAACTGCCCATTGAGCTTG  
CTAATCTTGTTGAAGCTATTGTCAAGGAAGGATTCTGGTATCACCCCGAGCCGAAGTATTTGATGCTAGTGTA  
CTGGATACCTGAAGGTGCTCATACTCTCCTGTAATGCTACTCATCAAGTTGGCATTGGTGCCTTTGTCTTGA  
ACGAAAACAAGGAGGTACTCGTGGTTCAGGAAAAGAGTGGAATATTCCGAGGGACTGGTGTATGGAAATTTTC  
CCACAGGAGTTGTTGATGAGGGGGGAAGATATATGCAAAGCTGCAGTGAGAGAAGTCAAAGAAGAGACTGG  
TGTCGACACAGAATTCATTGAAGTTTTAGCATTACAGACAACTCACCAACATTCTTTGGGAAATCAGATTTGT  
TTTTCATTTGCATGTTGAAACCATTGACCTTTGAAATAAGCAAGCAAGAACTGGAGATAGAGGATGCGCAGTG  
GATGAAACTCGAGGACTACACCGCTCAACCGTTGATCCAGAAACACGAAGTATGGAAGTGTATCAACAACATT  
TTTATCACAAAGATCCAGAAGCAATATTCTGGATTTTTCTGTGCTCACTTCCGAAGCCTTTTCAAGTAAAAAA  
AACCTTTTGTACCTAAACAAAAACGACCTGAACATGCGGTGAGGCCTCGTCATCTGTCCTTAATAGATTCTATT  
CTTCTTGACCGCTCATCATGTATACATTATTTGCCATGTAGATTGAATCTTGTTTCTTTGCTTCATTTTTTAGACC  
ATTGGACCATAACCTTGCTTCTAATATTTAAAACAGGAAAGTTTTGTGCTCCCCTATGGACTGTTGATGGGAAT  
AAGAGGGCAAAATTTTGAATCTGATGGTTGTAATGTCTCACCTCCATATGGTTAGAAATAGAATCAGTTTCAT  
TCAACATTCTCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1011 NM\_115178|Arabidopsis thaliana catalytic/ glutamate-ammonia ligase (AT3G53180)  
mRNA, complete cds

CTTGAGCTCATTGAATATCACTGTGGAACAGGTGCACGCAGAAGCTGGGAAAGGCCAATTTGAGTTTCCTTTA  
GGACATACTGTTTGTCTCAATGCTGCTGACAACCTTAGTTTACACACGGGAAGTTATTAGGGCTACTGCAAGGA  
AGCATGGACTGTTGGCAACATTTATCCCAAGTTTGATCTGGATGATATTGGTTCTGGCTCCCATGTGCATGTC

AGCTTGTGGCAGAATGGTAAAAATGTTTTCATGGCATCTGATGGATCTTCTAAACATGGAATGTCAGCAATTG  
GGGAAAAGTTCATGGCAGGGGTTTTACACCATATCTCATCAATTTTGGCATTACAGCTCCAGTTCCAAACAGT  
TATGATCGTTTACAACCAATATGTGGAGCGGAGCCTATCAATGTTGGGGAAAAGAAAACAGAGAATCTCCA  
CTTAGAACGGCTTGTCCACCTGGAATTCGGATGGTTTAGTGAGTAACTTTGAGATCAAATGTTTTGATGGTTG  
TGCAAATCCACACTTGGGTATGGCTGCTATTGTTGCTGCTGGACTAGATGGCCTTCGGAACAATCTTCAATTGC  
CTGAACCTGCTGATACAAATCCATTTAGCCTTGGTTCAAAGTTCCAAAGGTTGCCACAATCACTTTCTGAATCT  
GTAGAAGCTCTGGAAGAGGACAATATCTTGACGGATCTTATAGGTGAAAAGTTGGTGATTGCCATAAAGGCC  
ATTCGCAAGGCGGAAGAGAAATACTACTCGGAGCATCCGGATGCCTACAAGCAACTTATACATAGGTACTAA  
GGAGCAACTTATACACCACACCGTTATATATTAGAAATTCAGGTGTGGGGGGGAGATGTTCTCAAAAGGTTTT  
GTAACAAGGGTCTGAATTTTGCCCAACTCTCTTGCGGTACAGGTCTCAATTCCTTTCTCTAGTGAAATCTTCT  
TGTAGGCTTAGGATTTTGTTCGTTGAATCTAGGCCTACCGGTCTCAAACCTATTTCACGTGTATTAGTAGGT  
GGTTTATCTTCATGTTTCAATAAAAAGCGTTGTATCAGTTTATATTGCCAAGAGAATGGATAGATGAGATGTC  
GAAGAATTGTTGAATAAAGGGAGATGAAACGCGACTGANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1012 NM\_128088|Arabidopsis thaliana carbohydrate binding (AT2G25310) mRNA,  
complete cds

GGATCGGAGGGAGTAAATTAGTTCTCCGTCCATTCTTGCTTTTCCTAATCACTCCGCAAGGAACTACAAGA  
ACCGCGAGATCTTTCCTTTTCCGAAGCGTCCGCCATAGCAGAATCTTCCAAAATGCGTTCTCAAGTTTCTTCT  
CTTGCTTTCTCTCCAATTATTCTTCTCTCTGTTAACTTCGTCCCATGCTATTCCTCTGGGTCCGGCGATGGATAC  
ACCATCTATGGTCGTGTGAAGATTCCAAGCAACACACTTAAAGGATTTGGACTTCCTGGAAAAACATCAAACA  
TTAAAGTCATACTTAATGGTGGCCAAAGAGTAACCTTCTTGAGGCCCGATGGATATTTTTCATTCTATAATGTG  
CCAGCCGGAACCCATCTGATTGAAGTGGCTGCATTGGGTTATTTCTTTTCTCCCGTTCGAGTTGATGTGAGTGC  
CAGAAACCCAGGTAAGGTTCAGGCAGCCAACTGAAAACAGGCGGGTGTGAGTGAGCTTGTTTTAGAGCC  
TTTAAGGGATGAAGAGTATTATGAGGTTTCGAGAACCTTCAACATAATGTCTGTTGTGAAAAGTCTATGGGT  
CTGATGGTAGGATTCATGGTAATTGTTGTATTCCTGATGCCCAAGTTAATGGAGAACATAGACCCTGAAGAAA  
TGAGAAGAGCACAAGAAGAAATGAGGAACCAAGGCGTCCCACTCTATCAAGCTTGCTACCCGGGGCTGGCC  
GGAGCAGTTAAAGGACCAATTCGATATCAATTACATCTCCAGCTCAGATGCATCTAACTTCTGCGGAAAGC  
ACTCAGAATTTCTAACAGTTGAAGCAAATGAGCCTAATCATCTTTTTGTCTGGTGACCCGTGCTTCATTTTGAT  
TTTGATAGTCGTATCTATTAGACATTACTTTGGTCTGCATTCATTATTATTTTAAGGAGTCCCTGAGCTATATA  
AACGTTTCATCTTCTATGTTACCCAATTGGGACTAAACATCATTTTGATAATACTTCTCATTTACATTCCTCCCTC  
CCCTCCCCCAATTGCTTTTGTGTGTGTGTGTTTACCTATTATATTGTTTGTGTCAGGATTTTCTTTGTTGTGAA  
ATTGTGTTTAATAGGTTTATGTTTGATCTCTTCAATGTCAGTGACTTTTAGGGATTGAAGGATTCTACTAACT  
TGAATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1013 DQ902864|Glycine max transcription factor MYBJ7 mRNA, complete cds

AAAAAAAAAAAAAAAAAATAATTTTGAGAGTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGATGGGTAGAA  
CTCCATGTTGTGATAAAGCAAATGTGAAGAAAGGACCATGGTCTCCTGAGGAAGATGCAAAGCTCAAAGATT  
ACATTCAAAAACATGGAAGTGGTGGCAATTGGATTTCTCTCCACAAAAAGCTGGTTTAAAGAGATGTGGGAA  
AAGTTGTAGACTGAGATGGTTAAATTATCTGAGACCTGATATCAAACATGGAGATTTTCTGAGAAAGAAGAT  
ACAATAATCTGTAATCTCTATACTACCATGGAAGCAGATGGTCAGTAATTGCAGCACAGTTGCCGGGAAGAA  
CAGACAACGATATAAAAACTATTGGAACACAAAATTGAAGAAGAAATTAAGTAGTCTACATGGGATGGTGC  
CTCAATTTATTCAACCTTCATCAACAAATTCATCTTCATCTTCTTCTCACCATCTTCATACTCCAACAATGGGCC  
CTTGATCTCCACCTTATTAGAACCTATACCATTCTCATCCAATCTTCTCCTAAACCCACCACCACCACCACC



AACAATAATCCTAATAATAATGCTACTCCATTATTTAATCATCAAGCTGTCTCGCAAGATCAAAGCTTTATGATG  
AGTACAATGGTGGGGGGTGAATAATTATCATGTGAAATTAGGAGATCGTAGGTTGCTTGTGTTTGGAGGG  
GATCAAGGCAGTTGCAGCTCATCTGATGCCGAATACGGGGGCGGAATTGGAGTCGAGGAGAAGAGAAGATC  
GTCGTCGTTATCGTCAATGAGTTTTGTAGAGTGGTCTAGAGTTGTGAATGGATGGAATAATGAGAAGCAATTA  
GAAGATCAAGGGATGTGGAATAGTAATATGGAAAATAACTATAGTACTCCATTTTTGGATTATGGGCTTGAAG  
AAATTAAGCAGCTAATTAGTTCAAGTAATTGCACCACCAATGTTCATTTTGATGAAGCTACCACACTCACTCAT  
GATCGAATTGCTTTTGGCTGTTGTGTGTGTGTNGTGTGTTTTGTAAATGATACAAGATTTTTGGGGTTTCTTTTT  
TTGTATTCTAGTTTTCTTTAGAGAATGGTGTAATANTGTTGGAAGTACAGTTAATCTATTGTTAATAATCATG  
ATCAACACTGATTTTTCTTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1014 AF386951|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F17L21.8) mRNA, complete cds

ACATTTAGCTTCCTCGATCGTCGGTACGGATAATTCTGCTCTCTCCTTTATTTGCTTTCTCTGCATCCAAACAAA  
ACTTAATCCGAGAAAACCTCCATTCAACTGGAACCTCGGATTCTCTCCCCTGATACCATTTTCAGTTTTACACAC  
ACAAACACAATCACACACACACACACCCACTTTCCTTTTTAATTCCTTCTTCTTGGGAATCTAACCTTTGTCTT  
TCAATCACTGTTCTGACTTATCCACTTCTCAACGCCACCCCTGTTTTTCTCCCAAGTCTTTTCATTTCCCTCGCT  
TCCAGCCGTCATCGGAGGGTGGTTGTTTTGATTTTTGAGTCTTCAATTCTGGGTGTTTTTGTGTTTGTGAAT  
ATGGCCCAACAAGATCCTCGATCTGGGGTTTTTCATGAGATTTCTCTCTGCTTTGAAAATTCTACGATCGCC  
GCCTCTCCCGTGCCCTTCTCCGATCATGTTTTGGAATTGTCTTCTGTTATTTCTTCGTCGTCCTCGAGAATTTTG  
CCTTCTTCTCAGATGACCCAGCTGGATTTGCGGCTTGTCTTTGGGGATTTCTTTGGCTTTGATGCTTTGTGGA  
TCGGTTACTTTCTTCTTGGCTTCATGTTGATGCCTGGATTCTGTTTTGGTGATGATTTTTATGTGGTTGGCA  
TTGTCTCTAGCCTCTCTGTGTTGGGTGCTCTTTAATTTGTTGTTTACAGCTCCAACGCCTCGGAAAGATTTTC  
ACGGTTGGAAACAAATGTAAATATGAAGAAACCTTGGTTCAACCAGACAGTTGATGAATTATTTACCAGAGGA  
TGGAGTGCGCGGTGCCTACAGAAGAATCAGAGTAAAAATGCCCTTGTGAATGAATGGTGCTGCCTCTAGAAA  
TATATAGGCAAGAAGATGAAGTTTGAATTGTTTACCACAGTTTGTGTTTTTTAACTGTGGGTGTGACAAT  
TGTGTTAAGGATCTTCCTACTTTTGAAGTGTGTTTCACTCCATTTCTTCCATTGTTTTCTTCAAGTCTTTTATCAT  
ATATATGTAAGTCCACGATTTGAAATGCCTGTTAGGCAATCAATCAAAGAAAAAGAACAACGATATCGAAAC  
TGACAGCTTCGTTGTTTATAATAAAAAAACACGCGCAAAAGGGCCGTCTTTTAAAAAACCCGAAAAAGGCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1015 AF124148|Glycine max trehalase 1 GMTRE1 mRNA, complete cds

ATGGATGAGGGATTGACAGACTTATCAACTTTGGCTACAACCTTCAATCTTGCCAGTTGATCTCAATGTATTCA  
TACTCAAGATGGAACCTTGACATTTCCAATTTGGCAAGAGCCGTTGGAGATTACTGCACGGCAGAACACTTTTTT  
GAGGCCTCTAGTTAGAAAGAAGACAATCAACTCTATTTTTTGAATTTCGGAGAAGGGACAATGGCTTGATT  
ACTGGCTTGATAACGGCTCATACAAGGGTGCTCATTGATGGAATGCTCGAAACCAGAACCAGAACATATACGC  
TTCAAACCTTATTCCCTTGTGGATCGAATCATTTTACTCCGATAGCAGACAAATGAAGAAAGTTTTGAAAAGTT  
TACGGAACCTCAGGCTTGTGTGCAATGCTGGGATTGCAACTTCAGTGATTAATTCGGGGGAACAGTGGGATTT  
TCCAGACGGTTGGGCGCCAATCCAACACATGATCGTCGAGGGACTGGCAAGATCCGAATTGCCAGAAGCAAA  
GGCATTGGCCGAGGACATCGCCGCCAGATGGCTTGAACCAACTATGTAGCTTACAAGCACACGGGATTTAT  
GCATGAGAAGTATGATGTCCAAAAGTGTGGAGACTTCGGTGGAGGAGGTGAATACGTCCCTCAGACTGGCTT  
TGGATGGTCAAATGGAGTTGTTTTGGCATTCTTGAAGAGTTTGGATGGCCAAAAGATCAAAGATAGACTGC  
TATTTACCTTCTTAAACACGATAAGATTCAACATTCTTCTTGGGATTAGAGGATATAATATTCTTTAGGTTCTT  
CACTCTTAGTTTCATCTTAAAAGGGATGACTGTAAATTCTACAAATCATATTTTGTCTTAAAATTAGTTTTAAA  
CCTCTATGGTTTGGCATATCGTCATATCATTCTGTTAGTCTCAAGGGTCTTTATTAACAGATGATGCAATCAT  
AAGAGTGTTTAGAGTTAGTTTTCAACGATGAGTACTGTTGTATGATTTGTAATTGTCCCTACAAATTAAGAG

AAGAGTCCCTTAATTGGAGGGTGCTACTTCTATATATATTAGGTTTTTAGGAACTAGAAAATATTAGATCGCAA  
TAAATGTAAAAGCCTTTTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1016 AY143908|Arabidopsis thaliana At2g45060/T14P1.13 mRNA, complete cds

ACCAAAACCCGGGGGCGGGGCTTAGTGGAACAAGTTTTTGAGATTTTTGCAATGGCGATGGATGCTGGATC  
ATCGTCCTCCAAGAAAACCAATCATCTCCTTCTATCACCATGAATCTTCTTCATCAAACCTCAATCATTGGA  
AGACTTAGCTAAGCCTTGGGCTGAATACGCTGCTCAACAGGCGCTGCTATACCAACGGGCTATCGACCACTCT  
TTGGAGTCTGCCATCGAAGCCTCAAATCTCGCCTTCTCAGATTCTGTTCCACCTCCTATCCTCATTTCAGAAG  
GCAATTGATTCTTTTTGGGAGGCAAAGTCCGAACCTGCAGCTTATGAGAATTTAGTATTTGAAAAATTAGAG  
ATGGTATTCTTGTTGCTGCATCACATCCACTGATCAGTTGTGGAGTTGCAACTGGCATGGGTTTCTTAGTCTTT  
AAAAAGCCCAGAAGTTTCTTATACTACAAAAGTTCGACTTTTCATGAATGAAGAGTCCTTACTTTCAAAGC  
TGATGCTAAAGTAAAAGAGTTGCGGCAGTCAATTGATCGGATAAAGGTTGAAAGTGAGAGGCTGGAGAAAA  
GAACACTTCAAGCTGAAGAGGAATTGATACGAGGAAGAACAACAACTCAGGCAAGCAGGAAAACAAATTGAA  
GGTGTGATTCAAGTCGGCTCATAAAATTGAAAGAAAGGCAAGAGGTTTAAAAGATATTCTTGCAGATCTTCCA  
CTAGGGAAGCTTCGCATTAGGACTCAGGTATCTAACCTTGCTTCCGAAGCAAAGAAGGAAAGAATTGGGT  
TGAGCAAAGAAGTCTCAAAAATAACAACCTATGGCATCTCCGTCTGATAAATTCAAATCAAACATTCGGCTCG  
GCCTCAACAATGTTACTCCATCCCAAAATTCACCTGGTATGGCCTGAAACCACTACCTGCATATCCTTCTCATC  
GTTGTTTTCTTCGTTTTCTATTGGAGAAGGATGAGTTCTTTTTCTGTTTCTAAAGTGCTCGGCCAAAATAAG  
TTTTAAGTCTTCTGTTGAGTTACACCACTGAAAGGTGAATCCGATTGTAATTGTAGATGCAATACCAATAGA  
GTTGGTTCTTTTGATAGAATCGTAAATTCCTTCTAACAGAATTGTGAATTCAGCGAGCAGTGCTCATTCTGCA  
TTTACTGAATGGGTATTTGTGTTTATTTTGAIAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1017 X96974|S.oleracea mRNA for proteasome 37kD subunit

ACCATCGTCAACTTCATTCGCAAGCGGAAAAACCTGGCTTGGAGAAAAAGGAAACCTACTCTGTAAATGAAG  
GTTTACATCTCTTAAGGCAGTACCATTTCTGCCATTACTTCTACCATTCCCACGAAACCACCTCTTTTCTCTTTCA  
TTCTCCCCGTAGTATATCAAAAATGTCTCGAAGATATGATAGCCGAACAACAATTTTCTCTCCTGAAGGTCTG  
TCTTTACCAAGTTGAATATGCAATGGAGGCAATTGGAAATGCAGGCTCTGCAATTGGAATATTATCTAAAGAT  
GGGGTTGTCTTGGTAGGTGAAAAAGGTTACATCCAACTCCTCCAGACCTCAACTTCCACTGAGAAGATGT  
ACAACTCGATGATCATGTTGCATGTGCTGTGGCTGGAATTATGTCCGATGCCAACATATTGATCAACACTGCA  
AGGGTTCAAGCCCAACGATACACTTATGCATACCAAGAGCCAATGCCTGTTGAGCAACTGGTTCAATCTCTCT  
GCGATACAAAGCAAGGATACACCCAATTTGGTGGTCTACGTCCCTTTGGCGTCTCTTTTCTTTTGCAGGATGG  
GATAAAAACTACGGCTTTCACTATACATGAGCGACCCAAGTGAAACTATGGTGGTTGGAAGGCGGCTGCC  
ATTGGTGCCAACAACCAGGCAGCACAGTCAATGCTTAAACAGGATTACAAGGATGATATCACTAGAGAAGAG  
GCCATACAGCTTGCACCTTAAGGTGCTTAGCAAAACCATGGACAGCACAAAGTCTTACATCCGAAAAGCTCGAAT  
TAGCTGAGGTTTTCTCTCGCTGCTGGAAATGTCAAGTACCAAGTTTGCTCACCCGAATCTGTTAGCAAGTTG  
TTGGTGAAGTCAGTTTGACTCAACCAGCTGCTGAAGCTTCTAAATAAAACACCTCATCTAGACTCTGTCTC  
ATTTAGATGTGCAACAACTTCATCGTGCATGGCCCAACATGTCTCATGATTTCCATTTTACTTGAAGTGAATAGA  
GGTCGTTGGATATGTTCTTTGGATTGTTGGATTATCTTTACCATTTACAATTTTCTGTCTTTTATGTAACCATCT  
TTACCAAGTCTGCACATTTATGAAGTTGGGTTACTTTATCGCATTATAAGGAACCTTCTATGTCACTGAATTTGA  
TCTTATGATTCTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1018 Novel Gene

ATTTTAGTCCTTTAGTTTTGGACGCATCTGATCTACTTTACATATTTGTAAATATGTTTTATTGATGGTTGTTCC  
TAGTGATTGCTTAATGGTGTGGAAATGGTCATCTGTTTTCAATTATTTGGTTTTCCAATAATAACATACAATCTG  
TTTATGGAGTTTGGTTGTTTTATTGAAAGTACTAGTGTTGAAGACAACCAATGAAGTAATAAGAGTATCTTGT  
GGAAGACAAGAAGCAAGTAATTTGTTTATTGTGTTGAAGACATTCAAGTAAGTTCTGATGACTTAATGTGTAC  
ATGAAGATTTCGGTGGAAAGTTGGGTTAGAGTACATTGAGAAGAAGTTCAAGTCTGAAGAATTCATCTCAATT  
TTTTCTTAGCCACTCATAAGGTTAGCATGGTGATGTTAATATTCTTGTAGAGCTCTCTGTCGATGTTTCTGT  
CACTCGCAATCGATGGATTAATGATCAATGATGCCACTGGTTTAAGTGACATTTTCTGAAATTTTCTGAATCAG  
TTAACATCCTTTGTTAAAAATTGTATTATGAACATTAATAATGTTTGTGACTGCAGAGAACCACGTGGTTTTGGA  
TTCGTTCAAGTTGTTGATGCCGCTGATGCTGCTGATGCCAAGTATGAATTGGATGGCGAAGTTCTCCTGGGTC  
ATGAACAACTGTTGTGTTTGTGAGGAGAACAGGAAGAGACCTGAAGAGATGAGAGCAAGAGACTCATCAA  
GGGGTCGGTCCTACAGTTACAGCCGCCGCGCATTACCGTTGCGATATTCACGATCACCGCACTATGATCGAAA  
ATATTCACGTAGTCCTGAGTATTATCCCTGCACGGTCCAGACGATATTCAAGGTCGCCTAGGGGCCGAGA  
TACAGGGAGCAATCCTACTTAAGGTCACCATATGATCCAAGGGGCCGAGTTACAGCCGAAGCAGGAGCCGT  
AGCTATAGCCGAAGTTATTCTAGGTAAGTAAAGTACTTAATCGAAGTTTAAAGAAGAAGCCAGCCAGCTGAT  
GTTTCTGAAGACCCAGAACTATGATTTTAATTATGTTTGAATTTGGATTCGGAGGCTTTTGTATATGTCTTC  
TTAGAAAATTCTTGTTTTAGAGATGACTGATTTTTATGCTCTTAGTTGAACAAATTTATGAGCTTTATGGCTGTT  
TTCTTCATGTAAATGAACTTTGGAATTTAGACTTTTCT

>trans\_c\_1019 XM\_002312672|Populus trichocarpa porin/voltage-dependent anion-selective  
channel protein, mRNA

ATCGTTAAACACTTCCAAGGGCCAGCCTACACCAGATTTCTCTTTTCTCCTCACCATCGAACTTCATCAATCT  
CGTCTTCCCGGAATACCCATGGGAAAAGGTCCAGGTCTTTACTCCGACATTGGCAAGAAAGCTAGAGATCTTC  
TCTACAAGGATTACCAGAGCGACCATAAATTCACCGTCACTACTTACACTGCCGGTGGAGTTGCTATCAGTTCC  
ACTGGAGTTAAGAAAGGTGACATATTTTTGGCAGATGTAAGCACTCAGCTAAAGAACAACAATATCACAAGT  
ATGTAAAAGTTGACACCCACTCCAATGTTCACTACTGTTACAATTGATGAACCAGCTCCAGGGTTGAAGAC  
AATTTTTAGCTTTCGTGTTCTGACCAGAGATCTGGCAAGGTTGAAGTCCAATATCAACATGAATATGCTGGAA  
TAAGCACTGGCATTGGTCTGACTGCCAGCCCCATTGTTAACTTCGCTGGTGTATTGGAAATGAGAACTCTCA  
CTTGGAACAGATTTGTCATTTGACACTGCTTCAGGAAACATTACTAAATTGAATGCAGGCTTGAGTTACACTCA  
CTCTGACCTTATTGCGGCACTTACCTTGAACGATAAAGGTGATGCTCTTACTGCATCCTACTACCACCTGGGTA  
GCCCATTGAGCAACACGGGCCGTGGGTGCGGAGCTGTCGCACAGCTTTTCTAGCAAAGAAAACACTCTCACTA  
TAGGCACACAGCATGCTCTTGACCCCTGACTTCAGTGAAGGCACGAGTGAACAACTATGGTCGGGCAAGCG  
CTCTAATCCAGCACGAATGGCGCCCAAATCTTTGTTACCATTTTCAGGAGAAGTCGACACACGGGCCATTGA  
TAAGAGCGCAAAGATCGGTCTAGCCCTGGCTCTCAAGCCTTAGGGGGAGATCTGGGTGCTCCCTGGAGATTA  
CCGTGGAGGGTAATAAGCTGTTTTTTTTTAACTAGCGTAGACTTCTTTTTCTTCATATTTCAAATTTCCCT  
TCCCAACTGGATCATTGATGTTTGCAGTATGTTTTCAATTGGGTGCATCTGGTGGAGGGTATTAGGGTTGTG  
AAAATAATTTGACTTCAACAATCAGTTTTCTTTGGCTGATGTGAACTTTGCGGTGGTGTCAAATTCATTTGAA  
ATCATTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1020 NM\_179721|Arabidopsis thaliana chaperone protein dnaJ-related (AT2G24395)  
mRNA, complete cds

AGGGTTTCTTTGTAGCGGCAACGACGTTTTCTTTCATTTAGGGTTAATCTATCTTCTCTCGATCACTTCGA  
AGGAGATCGCTAATTTTATGGGACTGGAGTTTGGCTCTTTGGCCAATTTACATGCCTTAGAGATGAATGCGG  
TTCCCTAAATCATCTCTTCAACCTCTTCACCCATATTCGCTACGGTTCATTTTCTCTTGTGAATATCTTTGAACA  
CGCTGATACATGCATGATTCATCATTCTTCAACTCAAATCTCTTTCGCTCTATTCTTCTATTGTTTTTTTTTCTT

ATTTTGAATCGGTATTTAAATTCGATTTTGCTCCGAGTAGTAATTCAGGCAGCCCCTATGCAATTTTCATGGCAT  
TGGAGGCGTTAAACTGCTCGTAGATTGAATTGCTTATGCTCTTCAGACTTGCTGAGATTTCTTTGAAGCTGGT  
CTAGTAAGCCTAAGTACATTTGTTTTCTTTACCGATTTTGGGTCGTTTTCTTGCTTGATTTCTGTCTCAGTGTT  
CATTATTTGAGATCGTTTGGCTGATCAATGATCGAAAGCAGAATGACCGTGACGATGAAAGAAAACCATCTG  
TTCTCTTGTTCAATGTTAGCTCTGTTCCCGCTCCAACGGACACGATCGCTACAACCTTTACGAAGATCAACCTC  
GTCGGATTTTCTCCACCTCGATCCTCTACTTCTAGATCTTCCTTCAGTTCTGCTCGTTGCTCACCAATCCAGCAG  
GTCCAGGTTGATTCAACAATTGAATGCGAACCTTGTAATGGTAAAGGATGGATAGTGTGTGATTTCTGTGAAG  
GCCAGAAGACTAACGTGAAGGATGAGAACAATCGTATCTACCGACGCTGTCCGTCATGCCGAGCTGTTGGAT  
ATGTTCTATGTTCAAAGTGCAAGGTTTTCAAGTGTGTTACTTTCCCAAACCTCAATGACGGTGCAGATCTATCCT  
TTTGAACCTTCTTGATCTCTTCAATGATATGAAGTGTAGAGATCTTTCTTCAAAGAAATTCTGTTGGAAACGGC  
TTCTTCTGATATTTCCAATGCATTTTATGATATCATTTTCATGGAAGGAGACTTCCATCGAGCGATGTGGTCATG  
TCCTTGATTATATACAAATATAATATATAAATGAAGCAAGTGACAGCATCATTTGTTAATTAAGTAGTTTCGA  
AAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1021 XM\_002892087|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AAA-type ATPase family protein,  
mRNA

ATACTCTAAAGGAATTGGTGATGCTTCCTTTACAAAGGCCGAACCTTTCTGCAAGGGGCAATTGACTAAGCC  
ATGCAAAGGCATTCTGTTATTTGGCCACCTGGAACAGGTAAGACGATGCTCGCAAAGCCGTTGCTACTGAA  
GCTGGTGCAAATTTATCAACATTTCCATGTCAAGCATTACATCAAAGTGGTTCGGTGAGGGTGAGAAGTATG  
TAAAAGCTGTTTTCTCTAGCCAGTAAATTTGCCCCAAGTGTTGTATTTGTTGATCAAGTTGACAGCATGTTG  
GGTCGAAGAGAAAATCCAGGAGAACACGAGGCCATGCGAAAGATGAAAAATGAATTTATGGTGAAGTGGGA  
TGTTTTGCGAACAAAGGACACAGAAAGGGTTCTGGTTCTTGACGCCACGAACAGACCTTTGACCTTGATGAA  
GCTGTTATTCGAAGGCTTCCTCGTAGGTTGATGGTGAATTTGCCAGATGCTCCAAATAGAGCAAAGATACTTA  
AAGTTATTTTGCCAAAGAAGATTTGTCTCCAGAATTTGATTTGATTCGGTTGCTAGTATGACAGATGGATAC  
TCTGGGAGTGACCTTAAGAATCTTTGTGTTGCTGCTGCTCACCGTCCAATTAAGAGATATTGGAGAAGGAAA  
AAAAGGAGCGTGCTGCGGCTCTCGCAGACGGCCGGCCTGTTCCAGCCCTTAGTGGAAGTGAGGATATTCGGC  
CTCTAAATATGGATGACTTTAAATATGCTCATGAACGGGTATGTGCTAGTGTTTCGTCGGAGTCCGTAAACATG  
ACCGAGCTGTTACAATGGAACGAGCTCTACGGTGAAGGGGGTTCTAGGCGAAAGAAGGCTCTAAGTTACTTC  
ATGTAAGCTGATATTTGTACAAATCCTCGAGTCTCATTAAATTTGCGCGCTTCTCAGACGCCAGTGCTCGCTCA  
AATCTAATTTATAATGGGGGTCTATCCGGAAGCCAATTTCTCTAGTATGAAAATATAGGGTTTTGTAAGTCTTT  
TTCTTTTTTTCTTCTTTTGAAGTTAGTTGAGAATGATTGGTATAGGAATGGAAGCTGATCATAGTTTTGGT  
CATCCGCGACTTGTTGTTTTGTGCCATCAGTAAAAATGTATCCTAAATTTGGAACCTTATTTACTTGGAAGCAGA  
GGAAAAGAATCACCATGTTCTTACATTTCCCTCTTATTCTTTGCTGG

>trans\_c\_1022 EU430512|Nicotiana benthamiana chloroplast zebra-necrosis protein (ZN) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AAGTCGACGGCCAACATCCTCTATGGAAAGACTTCTTCTCTATTCTTCTCTCCACTTCCCTCAACATTAACCCCT  
AATTCATCTCTTGTTCTTCCTCGCTTTGCTCGCATTATTCACCTCCCTAGGCCCAATTTCCCCCTCCCCACCCGCC  
ATGGATTTACCCCCCTTGTTTTCTCTCCTTAAAGAATGACAAGCCTTCTTTTTCTTCATTCTTGTTTTCATCG  
CCCAATTCCTCGCTGATTCCATTTTCCAGTCCGATTCTCCACCCGACTCTCCTAAACCTGATTCCTGAAACCTT  
TCGCCCCGAAAGGAGAAGGTCAAAAGTTCACTCTTTGTTCTCTGCTCTTGCTCTGATCCTGATTCAACCAGTCT  
TTGCACCAGCAGCTTTTGCATCTTTTCAAATGCAGCTAAAACCTGGAGGTCTGCAGCTGTAGCAGTTGGGCG  
ACGTCTGATCCAAAGTGAATATTAATAGTGCTTGGACTGGTTTTCTTCGCTGGTTGCTTACACACATTATCAG  
GACCAGATCACCTCGCTGCTCTTGACCCCTTTCAATTGGGTGTAGCCGCATGGAAAGTGCTGCAGTTGGAGC

>trans\_c\_1023 XM\_002299293|Populus trichocarpa SAUR family protein (SAUR2), mRNA

>trans c 1024 BT021115|Arabidopsis thaliana At1g56440 mRNA, complete cds

ACTTTGAACGCAAGCTGTCGAGCATTTCTGCATACTCAATTGGAACAGCCTCATCACAAAATACTTCATCCCAA  
ATCTTGAGGAGATCGAACTTTTCAGAGGATGAAAGACACATCATCAGTATGCTGAACCTCGGGACTTTGACTA  
AATTTTCTAAAAAACTGATGGCCAAAGCCGGTTCCTCAGTGAAAAATGTAGCCACACACTTGACAATGTCTATT  
AAAATTGGAGCGGTAAATGCATTTTTGAATATCTGAGGCAACTTGGCTGGAGAGATGGTCTTTAAAAGACAAG  
CCTGCAATGCTTGATCATCAGAGAATCCTCTCCAAGAACTTCGAATTGATAGGCAGTAGTTGGGGCTATAAT  
GTTTTTTCGAGCTTCAACCATGCTTCTGGAAGCTGCTTGAGAAGCAAGTTCTTGCAGTATGCCTTCAGTTCCG  
GCTTCTCGGAAGATGATCTCTCTCAACACGTTCTCGAGCTGCCAATAATCCAGTCTTGATGTGCCGCTAGAG  
ACAGGAGGGATGTCCTGAATTTTTGCATCAGAGTCTGATTTTTTAAGCATCTTCTTATCTTTGGGGGAGCTTCT  
TGAAGCACCAGATGCCTTCTCAAGAATTGCCTTCCCAACAAAAGTCTGAGATCAGCATGCTGCTTCTTGATCTC  
CTGTTGTTAGGCTCCAATCTCTGGGCAAATTCAGCATCCTCAAGGCCTCTTTAGCCTTCCCAAGTTCCTTTCT  
AGCTGTTGCTCTGCGCGAGTATGCTTTGATGTACCGATCATCTAAATTTAAGGCCTCTGTAAAGTCATCCTCAG  
CCTCCTGAAATCTCCTGATTTTTAGGTAGGCCATAGCCCTATTTGCAAAGGCTACAGCTGTTGGGGACAAAGC  
AATACTTCTTGAATAGCAGTCAATGGCTTCTTTGAACTTCTTTTGCTTAAAATACTCATTACCCTGTTCTTTCTCT  
GAAGCAGCATCAACAAAACTCTGTTTCAGTCTGAAAAATTTCTTGATAGACGGTTAACCGCATCATATTGCTTCAA

GTAATCTGCTGCTGAAGCTTTTTCTGTCTGCCTTCTATCCTCCTTTCTTTTCCAATGGCCTGTGGCTTCAGTTTC  
TTGTCTTTTCCCTTAAATGAGACTTCCCAATCCTGCAAGTCATTCAAAAATCCCTGGAAATCCAGAGGGTGATC  
GCGGCCGTGCTTGCCGGAGGAATCGGCCATGGAAGA

>trans\_c\_1025 XM\_002298954|Populus trichocarpa aquaporin, MIP family, NIP subfamily, mRNA

AATCTCCAACAACATAATATTATATGGTTTGAGTTAATGTTAAAAATATACAGTAAACCTAAACCTTGAGAAGA  
AGATAAAAGAAAAGAAAAAAGAGTTGTTATATTATTGTACGATTAGAAGCCAATGGCACAATTTGAGATTAT  
ACGCGTGGACTCCCCAAGCGCAGCCAAATCTTGATGTCTCTCTAACTCGAAAGGTGGCAGCAGAATTTGTG  
GGGACGTTTCATCTTGATATTTGGTGCAACAGCTGCACCCATCGTCAACCAAAAAGTACAACCTCCCCATGTCAC  
GATTGGAAACGCCGCATGTTCTGGCATAGCTGTGATGATCGTAATTTTCTCAATAGGACACATCTCTGGTGCCC  
ACCTGAATCCGTCACCTACCATCGCCTTGCCACCCTCCGCCACTTCCCTTTGGCCCATGTCCCCGCCTACATCA  
CCGCCCAGGTCTCTGCTTCCATCTGTGCCTCCTTCGCTCTTAAGGGCGTTTTTACCCTTCCATGTCTGGTGGTG  
TCACGGTCCCGTCCATTGGTACCGCTCAAGCCTTGGCTCTGAATTCCTCATCACCTTCAATCTCTGTTTGTCTG  
CACCAGTGTTGCTACAGATACTCGAGCTGTTAGAGAGTTGGCCGGAATTGCAGTTGGAGCTACAGTGATGCTC  
AACATTCTTATTGCAGGGCCATCCACTGGTGGTTCCATGAACCCAGTGAGGACCTTAGGCCCTGCAGTGGCTG  
CTGGAAATTACAGAGAACTGTGGATATACTTGGTGGCTCCTACACTTGGGGCCATCGTTGGTGCCGGAACCTA  
CACCGCCGTAAAGCACAAAGATGATGGAATTGATGTTCTGCCGGAGGAGAGGAGTTTCCATCAGTGATAATG  
ATAGTGGTCGTTGCTATATGTTTCTGTTTTAATGTCCAGAGTACACGACCTTTTACTTTTCATGTCAAATTAATTT  
ATTGATTAATTAAGGCTTAATTGACGATCGAAAGTAATTTAATATCATTATATTATTAATGTATGAACCTTC  
TTCGTTTAAAAAACAACAAAAAACAACAAAAAACAACAAAAAACAACAAAAAACAACAAAAAACAACAAAAA  
AAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCTCAAAAATTTTATA  
AACCCCTCACCCCTCGGGGGGGGCCCCGGCCCCCATCCCC

>trans\_c\_1026 AY104747|Zea mays PCO066213 mRNA sequence

CAAAGATGAGGAAGATGTAGCTATGTCAGTTAAGAAGACCCAGCCGCATCCACAACAGCAACCACAACATCA  
TCATGTCTCTAGTCAGGTTCCAAGTTTTCTAGTGGTTCCTTGCAAAATGTTGAAATCAAGCCTCTGGTTCCTT  
TCCGAGTGGCCACATCAAGATTCTTGAAAGATCAAATGCAGGTAACGTGTTGGGGCAGTATCTCGATGTA  
AGGTTGTCGAAGGGCTTCAGGAACCCTGGAAATCTGAATATGCCATTATCACATGCGCGGGAACAGACCAAT  
TTGTTTCTGAAGCAGCAGACAGATGGTGGGCATACAGCCTCCAAGCATATGAAAGGGACTACACAAACGAA  
GCATTGAGCCGGCCTGAGCGCAAACAAAGCGAAGCATCTATGTACAACACTAGTAGAGCCCTCAAATGCCT  
GATCATCAGCAAATGAATTCATTTCTACAACCAATGCCATTAAGGAAATTAATGCAATGGGTGATGCTTCTTA  
CTGTGAAGCCAGATTCATTGCCAATGATCCAAAGTACCCTGGAGGAATGAGAACTACTCTTCAGATAATAGCA  
CCTGCTGTTTCAATCCCTTCACTTCCAGTGGCAATCCATTGCATGTAAATGCATTTTGTATCAGCCAAAGGAT  
GCTTTAAATCTCGATAAACCCGCACCAATACACAATCCAGTTTTTCAGTCGACCCCTCTCGAAAAGATCGTGC  
CAGTCCTGTGAAGTGGGATTGCAATTCAGAACCCACATACGTCTGCAGGAGGGGAGTCTTTAATAACTATAT  
ATTATATCCACAGTAAAGAGTTACTCGAGATCTTGGCTCGTCGTAGGTTTTGCTAGCGAGTTCTGCCATCGAA  
CAATCAGTGCTAATATCCAAATGTTTCTTCAAATGTTTGGTCATTTTTTTCCAGTAGCCAAATGTTTTTGAGA  
TGCTTGTAAGGCTTGCTGCTGACTTACAGAAACCATCAAGCGATGACGAAAGCAGAGGGTGACGATACATTTTAC  
CAGATGAAGAAGATACATACAATGGAGAATCAGAGAGAGGGGGGTCTGTTACTAGCCAAATCTAAAGCTATG  
AAGAGAGTAGATAATATATATTGTACAAGTGGTTTTCGAAGAATAATCGTCTTGAACCTTTGACCAAAACACA  
ATGGAAGTGAAGCTTTCACAAAAAACAACAAAAAACAACAAAAAACAACAAAAAACAACAAAAAACAACAAAAA

>trans\_c\_1027 HM755944|Cucumis sativus nitrate reductase 2 (NR2) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1028 XM\_002323733|Populus trichocarpa kip-related cyclin-dependent kinase inhibitor 1 (KRP-1), mRNA

>trans\_c\_1029 XM\_002866049|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATFIM1, mRNA

AAATTTTCATTGGTTAATGTGGCTGGAAACGACATCGTACAAGCAAACAAGAAGCTCATCCTTGCTTTCATTATG  
GCAGTTAATGAGGTTCAATATTCTCCAACCTCTTGAAGAATCTAAGATCTTACTCTCAAGTAAAAGAGATGACAG  
ATGGTGACATCCTGAGGTGGGCGAACAGCAAAGTGGAGAGCACTGGAAGGTCTTCTCAAATTGAGAGTTTTCT  
GGGATAAGAGATTGTCAAATGGAATATTCTTCTTTGAACTTCTAAGTGCTGTAGAACCTAGAGTAGTGAATTG  
GAACCTTGTTACCAACGGTGAAAATGATGATGAAAAGAGGCTAAATGCTACATACATTATAAGTGTTGCACGA

AAGCTGGGTTGTTGATATTTTGTACCTGAGGACATCATAGAGGTTAATCCAAAAATGATCCTCACATTAAC  
TGCAAGCATTATGTACTGGAGCCTTCAACAGCCTGTTGAAGAAATGGATATCTCTCCTTCTCCCGCCACTGCAA  
GTACTATCACAGATAGATCAACTACCTCGTCCATCAACGGTGAGGACGAGAGCTCCTCTCTGTGGTGAAGT  
TTTGAACCTAAGCTTAGACGATACTGCCTCTGATACCACAGTCTCCTCTGTGATTGAGAATGAAAGGGATCTCA  
TATGACCAACAAGGCGACTGATTTCAATTATGATGCTAGAATGTTTCTTGCAACAAAAATACATCAACTGGAA  
AAATAAGAAAGCAAATTTTTATGCTGTTGGAAGTGTGGTTAATATATCTGCTCAAATAGTTGATGCAGCAAATC  
CACAACAAACGCAAGCTTCTGATAAAGAAACACTCCCGTGAAGAAAACAATAAAATGAAGAAGAAAAAGGT  
TAGAACACTAAATCAGCAAATTTTATGATCCTTCCAAAGGCAAGAGGTGGAAGGGTTGAGGATCAATAATGG  
GTTGAGTCCCAAAATTTTCTTGAAGTGGTTTTCTTCAATGTAGATAATAGAAAAAGTTGGGTATTGAGAAAGTA  
ATGTTGTTGATATGTGACCAGCTAGGTTAGTTTTACATGTTGTAAGATTTGTAGTTTATACACTGGTGTAGTTT  
CATTTCAATTATGGTTGCCTCTTAAAGTTTGAATCTTTGTGGGAAGTCGGTCTTTACTATTGAAAATTATGTTGA  
GATATATTTTCACCACTAATAAAAGATCATGGATTGAATAAA

>trans\_c\_1030 NM\_001050096|Oryza sativa Japonica Group Os01g0613300 (Os01g0613300)  
mRNA, complete cds

ACTTAAAAAATGAAAGAAAGAAGAAATCGATTTTAAATACGAAAATGGTATTTGAATCCAATTAAGGAAAGC  
TTCATATTTCCCTTCCAACACGGACATGGATTGCTAGCTCTTCCGTTAACGCATCTAGCAGCTCAGATGACAG  
GCTCCATACTTCTTAATCTGCAATTTCTTTCGTTAACTGATTCTAGGTTTCGTTCTTACCCTTCTCAAATCATCTT  
TCTTCATTTCCGCATTTGATCTGCTCTTACACGCCCTCGAATTTCTCGCCTTATCAAAGTTACTGCTGTATCGT  
CCATGGAGGTGGAACAAGGTGGAGAATCTGCACCTGTTGACAGCACAGTTCCTCCCATGAAGCTCTTGTTTCGT  
CGAGATGGGTGTTGGCTACGATCAACACGGCCAAGACATCACGGCTGCTGCAATGCGAGCCTGCAGGGATGC  
AATCTCTTCCAATTCGATTCCAGCATTCCGTAGAGGTCCATTCTGGAGTCACATTTGGAGAGATGAACTAC  
AGATCAAACCTGGGGTTCACATTCTTCAACAATCTTTGGATATTGAAAAAGTCAAGTCCGTCTTCCCATAT  
GGAAAAATTCTGAATGTTGAGGTCGTGATGGTGGCTTAATATGCTCCAGTGGTGTGCATGTGGAAGAAATG  
GGAGACAAAAATGATGACTGTTACATAGTAAATGCTGCTGTATATGTTGGCTACTAATTTTCGTTGCATCATTC  
CCCTTCGAGGATCTTGGGGTTACGCGTTGTAGACTGCTAAACAATGTAAACCATGCATGCTCCAGAGACGAA  
AAGAGCTTCAAGTGTTTTGCGGTTGGCCTTACATGGTGAAAGCTGCGTAGAGAAGCTCATTCCAAGTGTCGG  
GCAAACCGGGAAGGCACCAATGGCTGCAATCTCTCCATGCTCGCCGCTGTAAGTAGAGGGATGAGCATCTTT  
CCGCAGTTGTGACAACGTTGTAATGTCCAGCAAGAAAACTGGCTTCCTCATTCTACTGAGCACTCTCTTTAAAA  
TTTCTGCAGCGGGGGGTGTCCCTGCTGGATACAGTGACCCGAAAGTGGTACACTTTCTCCGTTGCAACTCCT  
CTTTGGTTGGTTCCAATCCTTTCCCTGATAGGGTAGAACTTAAGATTTTATAGTTAAGAAGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1031 NM\_128561|Arabidopsis thaliana Ran-binding protein 1b (RanBP1b) (AT2G30060)  
mRNA, complete cds

TTCCCTAATTTCCCATCCTCTTTCCATAACCCAACAAAAGCTTCATCTATGGCCACCTCCGATTCTGAGCGCCG  
AGACGACGAGGAGGCTCATGCCGAGAAGATGAAGACACTGGAGCTCAAGTCGCCCCCATCGTCAAGTTGG  
AGGCGGTTGATGTTACCACCGGTGAAGAAGATGAGGACGCTGTTCTCGATCTGGAGGCAAACTGTATCGGT  
TCGATAAAGATGGAACCAATGGAAGGAGAGAGGTGCTGGTACTGTAAATTCTTGAAACATAAGCAGACTG  
GAAAGGTTGCTTGTATGAGACAGTCTAAGACGCTTAAGATCTGCGCTAATCATCTTGTCTTCCATCAATG  
ACGGTTCAGGAGCACGCTGGAATGATAAATCCTGCGTTTGGCATGCCACTGACTTCGCTGATGGCGAATTGA  
AAGATGAGCTTTTCTGTATCAGATTCCCATCAATTGAGAATTGCAAATCTTTCATGGAAACATTCCAAGAAATT  
GCCGAGAGCCAACAGAAGAAAGGGGAAAAACAAAGATGCATCTGCGGCAGCCGATTACTTGAGAAACTGAG  
TGTCGAAGAAAAAAAAAACTGAAGGTAAAGCTGAGGAGGAACCGGCCAAAGCTAAGAAAGAGGATGAGCC



CAAGGGTGAGCCAGAAAAATCAGTTGCAGAGAAAAAAATGATGAGTAACCAGCTAATGATGATATTATCAA  
AGATTTTTGATATGAAGTTCACCTCTCTCCATCCATGTCTTGTGGTACATCTAAAAACATACTCGGTTCTTGGA  
TTGGATTTCTGCTGGGGTGGGAGAGAGTGAGAGTCATCCAAATCGTACTTTGATTGGAGTCCCTTTCTTTCTCT  
TTTTCTTTCTCTTTTGA AAAAATGAGATTCTAGTCATGGTTGTTGTCAAATGGGGTGGGTTGTGTGACGGG  
ATGTCTTGC GGT T T T GCGAATCTTGAAAGAGTTATAGAATTGTGCGCGCCAATGCTTAAGCTGAAGATGCTGCA  
AGAGGTTAGTGATTGCGGAAGACATCATACTACACACTTATTTTTTTGGATTGAGTTGGGTCGGTTTGGTTTG  
GTTTGGTTTGGTTTAATTTGCTGCTCAGTGCCGAGATTTTTTTTCTTACCTTCCGGATGAAGAAAAAATATGAT  
GGGTGTTGTGGTATTTTATTGAAGTTTATAGCTCTTTTATTTTATTGTG

>trans\_c\_1032 XM\_002313609|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDT901), mRNA

TTTTCTCACATTTTCA TTTTCTTACGAGGCTTTTCTGAAAACCTAGCGTCTCTTCTTCTGCTCAACAATGGAGTTT  
TGGGGTGTCTGAAGTCAAGGCTGGTCAGTCACTTATTGTGAAACCTGGAAATGAGAAATTGATTCATCTATCAC  
AGGCAACGCTAGGTGAAATAAAGAAGGACAAAGCAAGTGA AAACGTGACTATATTTTTGAAAATTGGTGACC  
AAAAGCTTGTTCTGGGAATTCTCTCTGCAGAGAAGTTTCTCAGCTATCATTTGATCTTGTGTTTGAGAAGGAA  
TTTGAGCTCTCTCACAATGGGAAGAGTGGAAGTGTGTACTGTGCCGGATACCAGGCTTACGGGGATGATCAT  
GAACACGATGGTTATATTGATTCTGATGCTGGCTCAGATGATGAAGAACTCCCTTGGCCTCTGCTCAGAAATGC  
AAAACCAAGCTCGAAGGATGTGAAACCTGGTTTGGTTGAAAGTAATAATGCAAAAAAAGCTTCTCTGAAGAA  
GCCTTTGAAACCAAGCAAGGATGAGGACGACGTTTCTGAGGATGATGAATCTGATGATGATGAAGATTCTGA  
TGACGAATCTGATGAGGAAATGCTTGAGGGTGACAGCGGCGATTCTGATGAAGAAGATGATGACTCTGAAA  
GTGATGAGGAGACTCCGAAGAAGGTTGAATCAGCCAAGAAGAGGTTGAATGAGTCTGCCACCAAGACGACA  
CCCCTTCCCGCTAAGAAGGCGAAGTTAGCTACGCCGAAAAGACTGATTCAAAGAAGGGGGGCCATACCGCG  
ACTCCCATCCAGCCAAGAAAACCTGGTAAAACCCCTGCTGCTAAGTTGGAGACCCCAAAATCTGGTGGCCAGT  
TTTCTTGCAAATCCTGTGACAGGTCGTTTCGTTTCCGATGGTGCACCTCAGTCGCACAGTAAAGCTAAGCATGG  
GGCTAAGTAAAACGAAGAGTGGCATATATTTTAACAGGTTTAATATGTTTTTTTCTAGATAGGTTGAAATTTTG  
TTGAGAGTTGGGAATGTAGAACGAGAAATATGACTGTTCAACCTGAGGGAGATTAATTGATTTTGATAAACGT  
GTGCTTGTTTGTGTTGGTCTAGTTATGGTGTGTA CTGCAAGTATTATTCTTCCAAACAATGAATGTAGAATTGCC  
CCCTGTTTATGTTGGCTTTGCATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1033 AY042810|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F10B6.14) mRNA, complete cds

ATTGTGCCTTACGTGAATCTTATATTAGAAATGGTCCTAGTGCCTCAGGGGACCAAGGAGCAACTGAAATGCA  
GTTTCATTGTGTTGCCTGTGATCATCCTTCAGAGATGTTTGGGTTCTGTAAGGAGGTTTTTCAGAATTTTGCCA  
AGGTTTGGACGGCTGAACTCTATCCAGGGAACTTGAATACGTTAAAAGAATTTCTCTGCCAGCAAGGACGT  
GAGAGGGGAAACAACCTTCATGAACTTGCTGACCACATGCTGTCAAGACTAGCCAATAAGTCAAATCTTCTGAG  
GTGTACACTCATATCATGAGTTTCATTTCTGATGCTGACTTTTCCAAGCTAGGCAAGACACGACTTCCATCTGG  
AAAGGATCAATCAAAAAGCAGCAATGGAATTTCAAGTTTCTGTCAGGAAGCTCCATGGTTGAAATCTGTATAT  
TCTGAAAAAGTCCCCCAAACGGAAGAGCAGCGAATGCTCATCTAGTTTGA ACTACGAACGGAGTGACAAA  
CGTGTAATGGAGCCAGAATTGCAGATAAGTTCTCACAGGGAACCCCTTTTTGATGAATTGGACAGTATTGTTA  
GAATAAAACTTGCAAGAGGCCAAAATGTTTCAAGCACGGGCTGATGATGCCAGAAGAGAAGCAGAAGGTTTAA  
AGCGGATTGCTATTGCAAAAAACAAAAAATTGATGAAGAGTACACAAGTAGAATTGCCAAGTTGCGTTTGAT  
AGAAGCTGAGGATTTGCGCAAGCAGAAAGTTGAGGAACTCCAGGCTCTAGAAAGGGCTCATCGAGAATATTC  
TAGCTTGAAGGTACGGATGGAGGCAGATATTAAGATCTTCTTTGAAAATGGAAGCTACAAAACGGAACT  
CCCAGTATGAATTAGTATCAACCAGGATTCGTTCTGCCTTTTTATCTTCTGCTCTCCCTAGAATTGGAAGTAC  
TTCAAATTTATAAGCTTATATATTTTCAATTTATCGTAGTAGTTCTTTTAGGTTTTACCTTCTAAGTTCTTCCCT  
CCCTTTATTTTGGACTGCTAACTAAAGTCTGTACAGCGACTTCAACAGCATTTGTTTATGTATAAACAGTTCCA

TCTATGAAATCAATCCGAGAGAATTTTAAATCGGGTTTTTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1034 FJ177428|Malus x domestica Fbox protein mRNA, complete cds

GAAAGGTAGGAAGAAAGTGAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGGGAGCTCTCTGGGCATGGAAGG  
CCTGGCCATGCTTAGGCAGCTCATCGGTCAGCTTCAAGAGTTCTTGCAATTCTACCACTCTCATCCTCCTCCACC  
ACCACCGCCGCCACCGCCGCCACAACCGCCGCAGCCACTGGCTCTCACCCCTAGCTTCATCTCACCAGAGGTGG  
TGCTTCAAAGATATTGATGACAACTCTACAGATGATTATTACGGTCTTGTATTGGTGGCTGGTAGATCAGACAA  
TTGTAAGATGACAGAACTTGATGCTTCCACCTTTGAAAAAGCCAAGAAAGGAGCGGAACCGAGGAAAAATT  
GTTAGGATCAGCAGCAACAACCGAGGTGATGGAAGAAGAAATCTGGAAAGATTTCCAGAAGACCTCTTTGA  
AGCTGTCATTGCTAGACTTCCCATAGCCACATTCTTCCGGTTTTCTGCTGTTTTGCCAGAAATGGAACCTACTGC  
TAAACTCCGAAAGTTTCTCTTTTACTGTGCGCAAGTCCCACAAACCATCCCTTGGTTCTACACCATTACTCACG  
ACATGGTTAGTTCGGGAGCCATATATGATCCTTCTCTGAAGAAATGGCACCATCCATCCATTTTCATCTCAGCCT  
ATTAAATCACTTGTCTTCCGGTTGCTTCTGCTGGAGGCCTTGATGCTTGTGTTGATTTCAGTCATAGGAACTC  
TATGTATGCAATCCTCTGACTCAATCTCTTAAAGTGTGCGAGCTAGATCGGTTGAAGTGTGGTCTCGTGTTC  
AGTAGGGATGACTCTAAATGGGAGTTCGACGAATGGGGGCTACAATACCTTATGCCTTGGCTGTGATGGAGA  
GTATGAGATTTATGATTCTGTAAAAAACTCATGGATCCACCCCGGTAGCATGCCCTCGAGTATTAAGCTTCCAT  
TATCCCTGAATTTCCGCTCACAAGCTGTCTCCATTGACAGCACACTTTACTTCATGCGTTCCGACCCTGAAGGG  
ATTGTGTCTACAACATGGTCACTGGGGTTTGGGAAGCAGTTTATAGTTCCACCCCGCTACATCTGACAGACCA  
TACGCTTGACAGGTACGGAGGACGGATCGTGCTCGTGGGGTTGTTGACGAAAAACGCAGCCACATGCGTGTG  
CATATGGGAGCTGCAGAAGATGACTCTCTTATGGAAGGAGGTTGA

>trans\_c\_1035 HM122452|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH11)  
mRNA, complete cds

CTTTCAATTTTTTTCTCCATCTTCTTTAACTTTCTCTCTCATTTTCCTCTCCACCTCACTGCACTTATCTCTTT  
CTGTCAAGTTTTCTCCATTTCTTTCCATTCCCAATAAACTCTTTTCCAAACCTAAACCTCAAAAAAAAAATAAAA  
ATAAATAAAGAGGTACTCTTCAACCTCATCACTCATCACCTTCTGCTTACCATGCTTTCAGAGTTGGGAAC  
GTTCTTTGGATGGAAAATCGCGAGGATGAGGATTCGTCTTCTGGACTAAAAACAACAACGACCACAACCATC  
TCAACCACCTGTTAATTGCTCTGTTTTGAACAACAAAGACGAAATCACCTCTCTCTACCTTCAAATCCATGC  
TTGAGGTTGAAGACGACTGGTGTATCTCTGCTAATGCTCTCCATAACCATAACCACCACACCGACATCAATGAC  
ATTACCTTCTCTCAAATTTACCGACCCACCTGATAATTTGTTGCTCCCCCTGGGGATTCTCTCTTCTTGT  
CCCCTTCTTCTGTGTTAATAACATTGACCCATCTCAATTGCGTTTTCTTCTGCTCCAACCTCGCACTTTGTCT  
TCACTTCATAAGGTAGTTTCTAACAACCTTTAGACCATGGCTTCGATTTGGGAGCAGAGGTTGGGTTTCCTGA  
CGTCCAAGCTTCAAATGCTTCGACTCTGCTCAACGATGGAGGTGGGTTATTAAGTGGGTTCACTGATTTAAGCC  
CAACTAGTCAGATGAACACTCCTAATTTGTGCTTGGGTTCTCAATTGACAGCACAAAACGTGGCCCCAATGGG  
TGACAATTGTTTCGGGATTAGCGGGATTTAGAGTTTTGATGAGAATTTGGGAATGCTCTGCTTTTGAATCGG  
TCTAAGCTTTTGAGACCACTGAATCTTTTCCCTCAGTGGGAGCTCAGCCGACTCTTTTCCAGAAGAGGGCTGC  
TCTAAGGAAGAGTTTAGCTGATAAGGGAAGCAATTTGGGGTTTTGAGCCCCGATGGCGGCTGGTTCTCAAA  
TAGGATTGAAGGAGGCATTGGGAAAAATGAAATGGGTGACGAAAATGGGAAGAAGAGGAAAAATGATTTATG  
CAGATGAATTGCAAGATACTAGCATTGACACATCCCGTTTCAATTACGATTCTGATGAGTTTACCGAGAATACT  
AACACTAAGATTGAATGAGAGTGGTAG

>trans\_c\_1036 NM\_119573|Arabidopsis thaliana LEJ1 (LOSS OF THE TIMING OF ET AND JA  
BIOSYNTHESIS 1) (LEJ1) mRNA, complete cds

AACATCACACATCTCTGTGCTCTCATTGATTAAAGTCACTGAAACGTTCAATATCTCCGACCGACTACACGG  
GGATTTTCCTCCCATTAACGCTTTTTTCCCTTTCTCTCTGGGAAAGTGTTCTGTTTCCTATCCTTTCACG  
GATCGGAAGCTAATTACAACCTAATTCTCCGATTCCACTTTCATTCTGAAAAATTTCCGGTTGTAATTCTCTTCC  
GTTGCTAGATCAGCCATTGATTGCTTTGAATTTCTCTGTTTCTCCTCAATCATCAACCAAATGACCTCCATCTC  
TCTCTCCAATTCACATGCTCTTGCGCGGCCTTATCCTCATCATCTTCCTCACTCTCACCGTCAACAATGGTGTTC  
CGCCCTCTGCTTTCGTCCAATTCTTTCTAAGCTACACCGGTTTGGGATCTCCGACCGATTCCCCGCTCGTCCT  
CCCTTGCTTTGGTTCTTGCTTCTTCTGGAGCTGGCGTCGTTGATTCTTCCCGCTCAGAGGAACATATACGGTT  
GGTGATTTTATGACGAGAAAGGAGAATCTATATGTTGTTAAACCTACAACAACAGTTGATGAAGCATTAGAGG  
TCTTGGTGGAAAAGAGAATAACTGGTTTTCTGTTGTCGATGATGATTGGAATCTGGTTGGAGTCGTCCTCAGA  
TTATGACTTATTAGCTCTTGATTCCATTTCAAGTGGCACTCAAAGTGATACCAATCTGTTTCTGATGTGGATAG  
TTCGTGGAAAACATTCAATGAGATCCAGAAATTGCTCAGTAAAACAAATGGTAAAGTTGTTGGAGACCTAATG  
ACATCTTCTCCACTAGCTGTTGCTGAAACTTCAAAGTCTAGAAATGCTGCCAGGTTGTTGCTTGAACAAAATA  
TCGTCGATTGCCGGTAGTCGATGCTGATGGCAAGTTGGTGGGCATCATTACTAGGGGAAATGTTGTTAGAGC  
TGCTTTCAGATAAAACGAGCTGCTGAGAGGTCAACGTAATTCTAGAAATATTCTCAGGTGCCACTTTGAGGT  
AAATGTTACTAGGAAGTGTATCATTATTGTAGATCAGGATTAGTTCTTATAGTTTACACAGGGTTTGATTG  
TTACAATTATCTGAATTTGTGTTTTCCATCCTGAAGTAACTAGAGCTCGAAAGGGAAGTTTATTGATTCTCTAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1037 EF030420|Jatropha curcas aquaporin mRNA, complete cds

CTTGCTACCAAACCTACCTTTACACACTAACCAACGCAACAAAAAACCTCCCTCTCGAATTTCCGCCGTTCCCTCG  
CCGGGATTTTCATAACAATGTCCAAAGAAGTGACGGAAGAGGGACAGTCCGGCCTCAGAAAGGACTACGTGCA  
CCCACCCCGGCTCCACTCATCGACGTCGCCGAACCTACCCTCTGGTCCTTCTACAGAGCCCTTATCGCTGAGTT  
CATCGCCACTCTCCTTTCTCTACGTCACAATCGCCACCGTCATCGGCAACAACAACAGACCAAACGTGTGT  
GATGGCGTTGGAATCCTCGGAATCGCCTGGGCCTTCGGTGGCATGATCTTCGTCCTCGTCTACTGCACCGCCG  
GAATCTCCGGTGGTCATTAATCCAGCGGTGACATTCGGGTTGTTTCTTGCGAGGAAAGTGTGCTGATCAG  
AGCGTTTGGGTACATGGTGGCGCAGTGCGCCGGAGCCATTGTTGGCGTTGGGTTAGTCAAGGCTTTCATGAA  
GCATGATTATAACAACAACGGCGGCGGAGCCAACGCCGTTAATTCTGGTTACAGTAGAGGAACAGCTCTTGG  
TGCTGAGATTATTGGAACCTTCGTTCTTGTTTACACTGTCTTCTCCGCTACTGATCCCAAGAGGAGCGCGCGTG  
ATTCTCACATTCCTGTTTTAGCTCCATTGCCAATTGGGTTCCCGTGTTTATGGTTTATTAGCAACCATTCCCAT  
TACAGGAACCGGAATCAACCCGGCCAGAAGCTTCGGCGCCGCCGTCTACAACCGTGAAAAACCCTGGAA  
TGACCACTGGATCTTCTGGGTGGGTCCGTTCTGTCGGAGCATTAGCGGCGGCAGCGTACCACCAGTACATTCTC  
CGGGCAGCCGCCATTAAAGCTTTGGGATCATTCCGCAGCAACCCACAACTGAGAAGGAAGAAGATGATGA  
TAGAAGTGGAGCATGTTTTTAGAATTATTCATTATTAATTTGTGTGGTTATGTGTGATGATGAATGAGATTATG  
AGGAGGATGAAGGGAAGGGATTGTCTTTGAATGTTTTAATTTTATTTAATTTTATAATCTTTTGTGTTTAGT  
TTATTTTGGCTGTGTAATATTATGATTATCTTTCTTTTATTCAATTATAAGACAATTTGGCCTTCAATTTCTT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTTGT

>trans\_c\_1038 X78347|M.crystallinum PPK mRNA

AGCCCAAGGAATCGGCTTGTGCAGGACAGAGCATATGTTCTTTGCATCTGATGAGAGGATCAGAGCTGTAAG  
GAAGATGATAATGGCAGTTACGGTCGAACAAAGGAAGTCGGCTTTGGACTTGTTATTACCTTATCAAAGATCC  
GATTTTGAGGGAAATTTCCGAGCAATGGATGGTCTTCCAGTGAATGACTATTAGACTGTTGGACCCTCCACTCCATGA  
ATTCCTTCCAGAAGGGGACCTGGAAGAAATTGTCAAAGGACTAACTGCAGAGACTGGAATGAGTGAAGATGA  
AGTGTGTTTCTAGAATCGAGAAGCTCTCGGAAGTTAACCCAATGCTCGGTTTTCGCGGTTGCAGGCTTGGGATT  
TCATACCCGGAGCTGACGGAAATGCAAGCTCGTGCTATCTCCAGGCTGCTATCTCAATGAGCAATCAAGGAA

TTAAAGTTTTGCCTGAGATAATGGTTCCATTGGTTGGAACGCCACAAGAACTTAAACATCAAGTCAGCTCAATT  
CGCGGTGTTGCTGAGAAGGTGTTCTCAGAGATGGGTTCTCCATAAGTTACAAAGTGGGAACCATGATTGAA  
ATTCCTAGAGCTGCTTTGGTTGCAGATGAGATTGCAAAGGAAGCAGAGTTCTTCTATTCCGGACCAATGATC  
TTACACAAATGACTTTTGATACAGTAGAGATGATGTTGGCAAGTTTCTTCTATTTATATATCCAAAGGAATT  
CTACAAATGACCCTTTTGAGGTGCTTGACCAAAAAGGAGTTGGGCAACTGATCAAGCTAGCTACAGAAAAA  
GGGAGGGCAGCTAGGCCAAGTTTTGAAGGTTGGCATTGTGGAGAACATGGAGGAGAGCCTTCATCTGTTGC  
ATTCTTTGCTGAGGCTGGACTTGACTATGTTTCTTGTCTCTTTCAGAGTTCCAGTAGCAAGATTGGCTGCAG  
CCCAAGTTGTTGTTAAGATGAAGAAGATTGAAGGATACCAAATTGGGATATAATTAAGTTTGTGGAGTTGTA  
AATAAGAATTTATTTGTTGGATAAAGGAAGATAAAAAAGGGAAACCTTCATAAAGTTTATCAAAGGATACAAA  
TATTGTATAAAAAAGTATAGATATTAGAAATGGAAAAGCAAAGAGTTGTTTTCTCTTCATTCATAACTAAAT  
ATGATACGTAGATTCAAATTTGTAATAATTAGTCATTCAATTTTCTTC

>trans\_c\_1039 NM\_001049242 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0271400 (Os01g0271400)  
mRNA, complete cds

GATTATCGCTCTGCTTCAAGGTTTCTCAAGCCATGGAGGTCGCCACTACTGCCTCCAGCTTCGCACTTACCAAG  
CGAATATCCCCATTGTTTGCTTCTTCCAATTATGGAAAATCGAACCGGACCTTGTCCTTGTCGTCATCCTCTGTC  
AGAACGGCTCCCCTTCGACTAATTTTCTCATCCATTGCGCGGTGGCAGCGTCTCCGGGGACTTTTCCGGCGT  
GAAGCTCCGGCCTTATTCACCTAATCCGAATTGTTTCCCTGGATCCAAGGGCAAACGGGGTGTGTTACTATG  
GTTATTCCATTTTCAAGGGGAAGTGCATGGGAGCAACCTCTCCAGATTGGCATCTTATTTATACAAGAATCG  
AATTGTATACTTGGGCATGTCTCTGTCCCTTCTGTCACAGAGTTGATACTTGCTGAATTTCTTTACCTTCAGTAT  
GAGGATGAAACAAAGCCTATTTATCTTTACATTAACCTCCACGGGGACAACAAAGGGTGGTGAGAAGTTGGGC  
TATGAACTGAAGCATTGCAATATATGATGTTATGAGGTATGTTAAGCCTCCTATATTCACATTATGTGTTGG  
TAATGCTTGGGGAGAAGCAGCACTTCTTTTGGCAGCTGGTGCTCAGGGAAACCGTTCTGCATTGCCCTCATCA  
ACAATAATGATTAAGCAGCCAATTGCAAGGTTTCAGGGTCAAGCGACAGACGTAGAGCTTGCTAGAAAAGAA  
GTACGGAATGTGAAGGCAGAACTGGTTAAGCTTTTGGCAAGCATGTTGGAAAGTCAACTGAGGAGATTGAA  
GCTGATATCAGGCGGCCAAAATATTTTACTCCCAGCGAAGCAGTTGAATATGGTATCATAGATAAGGTTCTAT  
ACAACGAAAGAACAACCTGAGGACCGGGGAGTTGTATCTGACCTGAAAAAGGCACAACCTATTTAGTATAGAA  
AAATGTGGATTGGCAAAACAGTACCAAGATTGAAGTTCGCACAAATACTGGGTAGCATCTGAAAACCTGAAATT  
TGGAATCCTTGAGCAGTATTGGTCGGACTCAGGAAACAATCTGCGAGTTTATTGCGAGCTTATCGACTTCAG  
TATCTGAGGAACTTTCTGAATTATATTACAATTCTAGAACAAATGTTACAAAAGGAAAACTGGTTGATTGATT  
CAACTTTAACCAAGAAAATTGAAGCATTCTGTTTTGCCCAA

>trans\_c\_1040 NM\_116162 | *Arabidopsis thaliana* protein binding / zinc ion binding (AT3G62970)  
mRNA, complete cds

CTCCAATGGAAGAAGAACAACCTCCCTCTGCCCCAATCCGCCATGAAACAAGATTCGGGAAATTGCAATATGG  
ATGCGAGCATTACAGGAGACGGTGCAAAATCCGAGCTCCATGCTGCGACCAAATCTTCACCTGTCGCCACTGC  
CACAACGAGGCCATGACCTCGCTGAGCAATCCCAAGGACCGCCATGAACTTGTCGCCGGGATATTAGACAA  
GTGGTTTGCTTAATTTGCAACACAGAACAAGAGGTTGCTAAGGTTTGTGCAAGTGTAATGTTAATATGGGAG  
AATACTTTTTCGACATCTGCAAATTCTATGACGATAATACCGAGAAGAAACAGTTTCATTGTGATGCGTGTGGT  
ATCTGTAGGGTTGGTGGTTCGTGAAAATTTCTTTTATTGTGAGAGATGTGGATCTTGCTATTCACCTCCTTTGCG  
TGATAACCACACATGTGTTGAGAACTCAATGAAAAGTTATTGCCCCATCTGTTGGGAGTTTCTTTTGACTCAA  
TAAAAGACACAACCTGTTATGCCTTGTGGTCACACAATACATTTGGAGTGCTTCAGTGAGATGGAATCAATGAA  
TCAATACCGTTGTCCAATCTGCTTGAAAACAGTTGTGGACATGTCTGCGAGCTGGGCATTGCTGAAAATGGAG  
ATTGAGTGTAACCGATGCCCCGAGGAGTACAGCCACGAGGTATCAGTCCACTGCAACGATTGCAGCCATATTA

GCAAAGTTCGCTTTCACATTTTGGGACACAAATGCAGTCAGTGCAATTCATTCAATACTTGGAGGACTTCTTCC  
GGAGGACGTCAATAAAAACTAAAGGTACCCAAGAAATGTGGGGCTCTCTTAAACCCAACAATTGGAATTAGA  
TTTTGCTGAACGTTTGATTGTTAGAGCCATTTTCATCCATTTAGGAAGTCGCCCTGTTTTGTTTCAGAGGCTGACTA  
TGATTGGTTTTATACCTATAAATTCAGACACATTTAGTAAAGTAGTGCGATCTTCTATAGGAAGTGTCAATTTCT  
TTTTTCATTGTAACATTTAGCATTTCATCTTGAATGTTTATATATCATATTAGACACATTATACAGAAATGAATTTT  
ACATGAATCTCAAATCCTTGTTTGAATACTTGAATTTCAAGTGTAAATAAGAAAAGATAGGTGAATAATATTTTC  
CATTGACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1041 XM\_002893986|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F2G19.31/F2G19.31, mRNA

AAGAAAAGTCAAACAGGCCGAATTGGAAAAGAAAAAGGCCGAGAAGGAAGCCGAAATGGAGAATGCCAA  
AGGAATCAGCCTTACGAAAAAGAGTGTGAAATAGGTGATAAACTTGAGTTCTCCTTAGCATGGGAGATTGAG  
CTCTCATCCTACATTGGCAGCGACTCGGTTGTCAACTTGCGGCCAAGGGGAAGCATGCCGTGTGACCGAAGTG  
CATCCAATTGAGATATGTTCTGCAGTGTTAAGGCCCTCAATGAATGTGGATATGAAACACAATGGTCTGTTTA  
TTAATCATACGCCTGCAGAACTGTTGAGTTGGCCAGCTCGTTTATTTGTACATATCTGACCGGCTGCTACTTGA  
ACCAACAAAATCACGCCCCAACTCAACCGATGTTTCACTCTTGAATAGACAGATCAATCAATCAATCAATCATG  
GAGAGAGATAAATATTGGATGCTGACTGACTTATCTTCGCCAAGCAAAGGTATTCTCTATGCTGGTAGCTGCA  
ATTCTTATTATGGATTTGGCTCCTCCGGCAGAGTTATTGAGAAGAGTATTTTCAGTCCTAGATCAGTGTGTTGAT  
TAAAAGTAGCAATTTGGTTTCGGCTTGACGACGTATGCATTTGGCATAAATTTTTTGGGCAGAGAACAATG  
CGTCGAAATTGCATCCTCCTTGAAGTCCAGCCATAGCACGAAACCATGTACAGAGCCTCTTAACCATTCATA  
CATTAGAATGTAAAATTTGTTCTATTGTTTGATGATGTAACATGAAAATAGTTTTTTTCTTTTCATCCCTCCTTT  
ATGTGTAGATTTTTTGAATCAAAACCGTCATAGAAGGTGTTGTATAGAGCAGATTCAGAGAGTAATTAGAAGA  
CGGGTTCTCCCACTGTAATTGTAACATAAAAATCGAAAAATATAGGCCACGTTTGAAGTCTTTTTGTTTCA  
TTCATTTTTATTGCTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAGACTCATTATCCTCCATTATCATAATGAGA  
GCAACTGTAGTCGACATGCATTATCCTTTGTTGTCTTTTTTGGACAATTTGAGACAATATTGTCCACCAGAC  
CTCATTATTAAGAATCCCTTCAGGTGATTCAATTTTTTATGGATTTTGTAGCCTTTGCTTTTATGGAAAATGTTT  
CCTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1042 NM\_102368|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat protein-related (AT1G25570)  
mRNA, complete cds

CATTGAAAGTGTCCCTTCGAGTGCCTGATAGAATGGGTTGGAATGGCGATCCTTGCTCCTACAAATTGGGA  
TGCTGGGAGGGAATTACATGTCGTCCCAACAAGAATGGAAGTGCCTCGTTATATTTCAAATTGATCTGGGA  
AGCCAAGGCTTGAAAGGGTATGTCAGCGACCAATTGTTTTTTGACAGACTTGGAAGCCTAAATCTTAGTTT  
CAACTCATTGGGGGGCACAATACCGCTGGGCTAGGTGAACATTCTCTCACACGGCTGGATTTGTCAAAGAAT  
CAGTTAACAGGATCCATACCAGATAGTTTATCATCTCGAAATTTGCAGCTTGTGCTATTAAATGACAATTT  
GGAAGGACGGGTGCCTGAAGAACTTTATTCTATTGGTGTGCATGGTGGAGCCATTGACCTGTCTAGCAACAA  
GGGTTTATGTGGTGTGCCTTCCTTGCCAACATGCCCTCTATTTTGGGAACATGGGCGGTTGTCTAAAAGTGGTA  
AAATTGCAATAGGTGTATCATCCACGTTCTTTTCTGTGCACTGCTGGCAGTTATCTACATATGCTGCATCAGA  
AGACGTAGAAATGATTATGATTTGCGCTTGCCTAGTGAATTAATGTCTCTTGCTGCAAAAAGGAACAGGTACC  
AGAGGCAGAAATCCTTAATGCTGTTGGAAATGGAGAGTCAACATGCCAAGGGATTGTACCCCTTACCCCCCT  
CAACTGAATTATGCTCCAAAAATGGGAATAATCCTTGAGAGAGTTTTGAAACTGCAACAAATCTTTAGAATGC  
TAACTTAAATACGACCGTACAGGACGTCGAGCATAAAATAGGTCAATGGCTTTTCTGCTGGAATGAGACTGAA  
CAGTCTGGCTTTCACGAGAGTCATTCAAGTAACCAAGCAGTATATCACAGAGAGCAATGACATCTTGATCCAT  
GGAACAGTGACAATTTTTTCTTTATAACATTTTGATATGATCCAATAGAGCATTTGATTGGTGTACATTTGGAA  
TGCATAGATTATTTCAAATGTAATGAGATGTCTTTATAATATGTAGTTCTGTTCTAAAAGTGTAATACAGAGT

GATTTGGCTGAATAGTAGTCAGTTTTTATCATGAACTACTTGTACCAGTTATTGAATAGTAGGTTGATGAGTTT  
CCTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1043 XM\_002894284|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RWD domain-containing protein,  
mRNA

AAAAATGAAAACCTCTCGGCAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGACAGAGAGAGACAGAGAC  
AGAGACGAGAAAAAGGTTAAATAAATACAAGGGCAAGAAGGGTTTTTATAGTTTATTTTCTGTGTTTTATTTCC  
CCTTTTTCTTCCATCCTTCTCCCCCTCAAACCTCGAAAAAATTTCCACAAATTTTCTCCCAATCCATTATATTTGGT  
TACTTTACCAACCCCTTAGGGCAAGAGCTGAAGAACTTCTTATGATTTTTTGTGTTGAGTAGTAATTTGGG  
GTCTCCATTAGCTCAGTGACCGTGATTGCATCTTACGAAGCCAGGAAGAGGTGTAAGTGGAACCCAATTACAG  
CAGCCATGACTGACTATGCACAAGAGCAGGAAATGGAAATTGAAGCATTGGAAGCTATACTTATGGACGAGT  
TCAAAGAAATTCACCTCAAGTGAGAGTGCCCTAAACACTTCTGGTAGATGCTTCAAATAACACTGTCTCCACAG  
GATGATGAGACAGACGAATCAACAAATATGCCAGTTCAGCTGGGTTTGATTTTCTCGCATACAGAGAAATATC  
CTGATGAACCTCCACTTTTGAATGTGAAAAGTATTAGAGGAATCCCGGGAGAAGATCTGAAGATTTTGAAAGA  
AAAGCTTCAGCAAGAGGCTTCTGAAAATCTTGGTATGGCTATGGTCTACACACTTGTAACATCATCTAAAGAG  
TGGCTATCTGAGCGATTTGGTCAAGAAAGTAGTCTTGAGATTGCCGAAGCAGAAGAGAGAGCAAAAGAAGA  
TGTAATTGTACCTCATGGAGAACCTGTCACCCTTGACACATTTTAGCATGGAAGGAAAAGATTTGAAGCAGAG  
ATTGCACTGGAACGAGCCAAGATAATGCCCCGAATCAGCTCTTACTGCACCTAAGGAGAAGAACTTACTGGCA  
GGCAGTGGTTTGAGAGCGGAAGAGCTTCTGGGAAAGGTGCAGCTCCAGTTACTGAAGGATCTGACGAAGAT  
GACGAGGAAGATATTGACTTCGACGAGGATGAATTTGAAGATGATGATGAGGAAGACATGCTTGAGCACTAT  
CTAGCGGAGAAATCAGATTCATCCTCTCACTCATCCAGAAGGCCTTAGTTATTTATCAGTTTATTTGCTTCATTA  
CAAGAATGGATATCAAATTTTGGCTTGTAATCTTACTTNGGAACAGG

>trans\_c\_1044 XM\_002871805|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Mo25 family protein, mRNA

TTCAGCAAATTCCTACAATTCAACGAAGATCGCTAGGGCAAACGTTGAGGAACACGGAAGAGGGAATTTG  
ATCTCGGCTGTTGATCATGTCTGTTCTCATTCTTCAAGCCATCGAGGCCTAAAACCCCTCAAGAGGTTGCCAAAG  
TCATCAAGGATAGCCTTATGGCTCTCGATACCAAACCGTCGTTGAAGTTAGAGCTCTTGAGAAGGCTATGGA  
GGAAGTTGAGAAGAATTTTGTAACTATGAGATGTATGCTCACTGGAGACGCGGAGGTTGAACCCAATGCGGA  
TCAAGTTTTACAGCTAACGCAGGAGATATGTAAAGAGTGTGTTATCGATCTTCTAATCCATAAATTGCCTGTTT  
TCGGATGGGAAGCAAGAAAGGACCTTGTCAATTGTTGGTCCATATTGTTGAAACAAAAGGTTGCCTCCACTTA  
TTGCTGTGTACAGTACATTGAGAACCACCTTTGAGTTGTTAGACTTTCTCGTTGTGTGCTATGACAACAAAGAAA  
TTGCTGTGAACTGTGGAAATATGTTGAGGGAATGCATCAAATTTCCAACACTTGCAAAGTACATATTGGAGTC  
TGCAAGTTTTGAATTGTTCTTCAAGTTTGTGGAGTTACCTAATTTTGATGTTGCATCAGATGCATTTTCTACGTT  
TAAGGACCTGCTTACCAAACATGCTGATATAGTTTCCGACTTCTTGAGCTCTCATTATGATGAGTTCTTTGACAG  
ATATGAAGCGCTCCTGACATCTTCCAATTATGTAAGTAGAAGACAGTCGTTGAAGCTTCTATCAGAAATTTTATT  
GGAATCTCCAAATTCCTCAATAATGAAGCGTTACATTCTAGAAGTTCGGAACCTTGAAAGTAATGATGACTCTAT  
TAAAGGATTCCAGCAAGAACATCCAACATCTGCTTTCCACATATTCAAGGTTTTTGTGCAAATCCTAATAAG  
CCACGCGAAATCAAGCTTATTCTGAGTAAAAACACGAAAAGCTTCTGGAATTGCTTACAATCTCTCTCCTGG  
GAAAGGTGCTGAGGACGAACAGTTCGAAGAAGAAAAAGAGTTGATAATCAAAAAAATCGAAAGAGTTACAC  
TGATGCAACATCTTGATCGTTAAGTCGTTTCTCCACGCCGTATGTTGATGTATGCTATTTCCATCCATCCATGA  
TCCAATGTACTGTCAAACAACGTTGTTGCGAATTGA

>trans\_c\_1045 XM\_002888023|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata OST3/OST6 family protein, mRNA

TCTACCCAAAATTTGGCCATTGCACAAACCAATCTCTCGCTTCGAGCCAAAATGGCGACACTCAAATTCTCTC  
ATCCTCTCCTCCTAACTCTCCTTCTCGCTCTCTTCGTTCAATATTCTCTATCTTCATCTGACTCCGATCGAGTTGCA  
GAGCTTCTTGACCTCCAATCTCGATCCCCTTCCGGTGTGATTCACTCTCGACGACCAGTCCGTCTCCCGTTTCCTT  
ACCACACCAAAAAAGCCCTAGACCTTATTCACTTCTCATTTTCTTTGACGCCTTACAGCTTCACGACAAGTCCGAG  
CTCCACCTCAAAGAACTCCGCCATGAATTTGGCCTCGTCTCCTCCTTCATCGCCAACAACCCCGATCCCTCT  
TCTCCATCTCGCTCCAAATTATTCTTCTGCGAGATTGAGTTCAAAGAGTCCCAACCTAGTTTTTCCCTTTTCGGC  
GTTAATGCTCTCCCCCATGTACGGCTGATTGGCCCCAATCAAACGCCTAAGAAGTCCGATCAAATGGACCAAA  
GCGACTATTCCAGATTGGCTGAATCCATGGCGGAATTTGTAGAGTCCAAGACATCGCTTGTGTTGGTCCGAT  
CCAACGACCCCCAATGTTTTCCAAGAACCAATTGGTTCGATCTTTTCATTGCCATGTGAATTCGGCGCCATTTGC  
TTTAAAAAAGGTCATTGCAGGTGAGACATTGCTCAACGACCGGAAAGTCTGGTTGATGGGGGCTATCTTTATC  
TACTTTTTCACTGTTGCGGGCACTATGCATAACATTATTCGAAAAATGCCCATGTTTTTGACCGACCGGAACGA  
TCCCTCCAAGCTGGTATTCTTCTATCAGGGCTCTGGAATGCAGCTTGGTGCAGAGGGGTTTGCTGTGGGTTTCT  
TGTATACGATTGTTGGGTTGCTTTGGCTTCGTGACTCATGTGCTTGTCAAAGTCAGGAATGTGAATACACAG  
CGGGTTGCTATGATGATTGCGCTCTTTGTGTCATTTGGGCAGTGAAGAAAGTCGTGTATTTGGATAACTGGA  
AGACAGGTTATGGAATTCATGGATATTGGCCATCAAGTTGGAATTGATTCAGGAAGAGCGCCTTTGCTGTTT  
GGCTATCTCTATATGTGAGAATTTCTCGTCCATGAACTGGTAGCTGTTGAAGTTAAATTTTGTGTTTTAACAT  
ACGACTTTGGCCATTAGATGCTTCTCT

>trans\_c\_1046 NM\_001061687|Oryza sativa Japonica Group Os05g0306000 (Os05g0306000)  
mRNA, complete cds

AAGAAACTTGGAGAATTTTCGTACAGTGGAAGTATTTTTGTTTGATAATTTGCTTTAACAATAAGCATCTTCTTC  
GGCTTCAAACGATCGGAGGAGGAAATTCCAGAGTGGAGCAATTGTAAGTAAAGATTTTGATTCCGGTGAAGAG  
AATCAAGGTATAGGCGAAAATGGCTTCCATGGAGGGTCTGGTGCCTATAACCAGGCATTCCTTGCTTCGTAC  
TATGATAAGTACCCATTTGCGCCTCTATCTGACCATGTCTCTCGCTCTCGACTGAGATGCTCGCTCTGGCCAA  
AGTTTGCTTGATGAACCTCCGCCTACTTCAGAGGAAAGCACCTTCTTGATGAAGCAAACCAACATCCTCCTCA  
TAAAATCGATGAGAATATGTGGAAGAATCGGGAAAACGTGGAAGAAATCTCTTTCTGCTTGAAAAATCTCGT  
TGGCCTCAAGAGGTTCAAAGGAGTCTGCAACTGGTAAATCTGAACCTGCTAATATTATAGGAAAGCTAGAA  
GAAAAAGCTCGGAATGCCTTACATGTGTTGGTGGCTTTCCAATCGAAAAATTCTGAGCATGTGTTCAACACAG  
TTATGACCTACATGCCTCAAGATTTCCGAGGAACGATAATTAGACAACAAAGAGAACGGTCAGAGAGAAACA  
AGCAAGCAGAGGTTGATGCTTTGATTAATTCTGGAGGAAGCATACGTGATCGATATGCTCTTATGGAAACA  
ACAAATGAGAGGAAAAGTGATAGCTACAAAGAGATTAGTGTTCAGCTGGGAAGACTTATGAGGTTTCGTTA  
AGTGTGGAGTTTATCAATTCCTATATTGCCTGGGATTTCTCACTGGTTCAAGGCAAGATGAATATGGATATTGG  
TTTCAGTGTGGAGTGTGAAAGTCTGGAGGAGTAAAGACGTTGATATTGCCTCACAACGTTACGAGTCTGAT  
CAAGGAAACTTCTGCACTTGCATGGCTGGGGACTACAAGCTGATTTGGGATAACACATATTCAACTTTTTTTAA  
GAAGGTTTTGCGCTATAAGGTTGACTGTATACCTCCCGTGGTAGAGCCGGTGCAACCTGCAGCAGAAGAAAT  
AGTGTCTCCAGCCGCACTCTATTGTAGACAACAGTGTTTAGATTGGTACATATAAATTCACTTTCTATATAGTT  
TCATCCTCTCGAAGAGTTTGATCGATCACTTCGTGAGATCCT

>trans\_c\_1047 GU952813|Hevea brasiliensis cultivar Reyan 7-33-97 glutathione reductase mRNA,  
complete cds

AAGGAAGATGCTCATAGACGGTGAACAGTGCCACCAGGCTGAAGCGGAGGAACACTACGACTTTGATTTATT  
CGTTATTGGAGCAGGGAGTGGTGGTGTTCGTGCTAGTAGATTTTCAGCTAGTCATGGAGCAAAGGTTGGCAT  
CTGTGAACTTCCATTTCGATCCAATCAGCTCAGAAGTAGTTGGAGGAATTGGCGGAACGTGTGTCATTTCGTGGC  
TGTGTTCCAAAAAGATTCTAGTCTATGGGGCATCGTTTGGTCTGAGCTTCAGGATGCTCGAAGTTTTGGTTG

GGATGTGAATGAGAAAGTGGATTTTGATTGGAAGAACTTCTACAAAAGAAGACAGATGAGATAGTCCGATT  
AAATGGAATTTACAAGCGTTTACTGACTAATTCGGGAGTAAAAATGTATGAAGGAGAGGGAAAGATTGTAGG  
TCCACACGAAGTTGAGGTGACACAATTGATGGTACCAAAATATGTTATTCAGCAAAGCACATACTGATTGCA  
ACTGGCAGTAGAGCGGTCATTCTGATATTCTGGGAAGGAATTTGGGATAACATCTGATGAGGCTTTGAGTT  
TAGAGGAATTGCCTAAGCGTGTGTGGTGCTTGGAGGAGGGTACATTGCCGTTGAATTTGCTTCGATCTGGAA  
TGGTATGGGTGCCAAAGTTGACCTATGTTTTAGAAGGGAACCTCCACTGAGAGGTTTCGATGATGAAATGAG  
AGCAGTGGTTGCAAGGAACCTGGAAGCCAGAGGAATTAATATGCACCCAAGAACAAATTTGACAGAATTGAT  
AAAAACAGGGAACGGAATAAAAGTTATCACAGATCATGGCGAGGAGTTGTTGGCAGATGCTGTGTTGTTTGC  
GACTGGTCGTGCTCCTAATTCAAAAAGATTAAATTTGAATGCAGTTGGTGTGCAAGTTGATAAACATGGTGCT  
GTGAAGTTGATGAGTATTCACGAACGACTGTACCTAGTATATGGGCTATTGGAGATGTTACTAATCGAATGA  
ATCTTACACCTGTGGCTCTAATGGAGGGATCGTACTTTGCTAACACTGTTTTTGGTGGTGAACCTACCAACCA  
GACTACAATTTTGTGCCCTATGCTGTATTCTGCATACCGCCTCTCTCTGTTGTGGGCCAAAGTGAAGAAGAAGC  
TGTAGAGAAAGCGAAGGGTGACATTCTGGTGTACACGTCTTCGTTCAATC

>trans\_c\_1048 BT020344|Arabidopsis thaliana At4g08455 gene, complete cds

CTCACCAATTCCACTTCGAAAAAAAAACATTATTTTGTCTTTAAAACACAAATTGATTGATCTCTAGAGGCTAA  
TCCTTCGTCATATCGCCATTTCTCTTTTCGACAGTTTCCGTTTCGATCAAAGCAACGATTAGGGAATTTTCACAGA  
ATCCCCGCGCCGACGGCAAATCTCCGATGCAGCGCCGCCGGTGTTTGTGTCGAGAGCCATTTTCGGACACAG  
AAAGCGAGTCCGATCAAGAAATGATGAAGTGCTTGTCTGTCTGGAGGAATACCCATCACGCGAGGCCGGAA  
CCTGCAAGGAGTGCTATGATGAAGCTAATGAGACTGAGGAAGAGCTCAAGCGTGAGATCGAGGACTTGAAA  
GCCAAGGTCGCTTTCCTCAGGTTTTGGTCCCCTCTTGATCATCTTCATAACAGGTCGAATACTCCATGCTTTACG  
GATGTCGTTTTGATCGCCTCCAGCGATGGACCTGAGGGATACGCCGTGCCTCTTCCCGCTCATAAAGCTGTCTT  
GGTGAGTCGCTCCCCAGTCTTCAGAGCTATGCTTGAGAATGAAATGGAAGAAAGTCGTAGTGGTACCATAAA  
GATCAGTGATGTATCGTTTGATGCTCTCCGTGCCTTTGATAATTATTTGTACACTGCAGAAGCCTGTCTTGATG  
AGCAAATGGCTTATGACCTTCTAGTTTTGGCTGAGAAGTACGAAGTGAAGCATTGAAGGCACATTGCGAGA  
AGTTCCTAATATCAAACTGAACTGGGACAACCTCAATCATGAACTACGTATTTGCACACCAGCACAAATGGCGT  
GCATATGATTGATGCAGCTTTGTCAATGATTATTGACAACATGGACAAGCTTACCAAAAAGGAGGAGTACATG  
GAACTCGTCGAGAAGGATCCACGGCCTGTCGTGGAAATCTACGAAGCTTACATGTCTAAACAGGTAAATACTG  
CTGCTTGTAAGGATTGTTCTGTGAAATAAACTGAAGTAGATCTTATAGCCATTGTGATCTTTTTTTCTTTTTGTG  
TGGTGTGCGCTTGAATAACTGTTTTTGGTACTTTGCTTTAAGATGAGCATGCACTTCAATAATACTCGGAATG  
TATTGTTTTAAAGAAAACAGAACAGAACGTAAATAAAATTTAACCCAATCGATCTAAATGGAAAATAGCTA  
TGAGTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1049 NM\_113709|Arabidopsis thaliana DEGP1 (DegP protease 1); serine-type  
endopeptidase/ serine-type peptidase (DEGP1) mRNA, complete cds

ACCCACTTCCTTTTTCTCTCAAAGTCCATCTCTTTTACAATTTCCAATCCCGCCCGCCATTTAGATACCCAAT  
CTTCTCTCTTCTCACCAAAATAAGAAACACTCTCAAATTTACCTTCAATTCATCTAAAACTCCCCATTCCCTCT  
AACCCCTTTGCTTCAATTTGCGAATCGCTTCTTGTCTTCTCCACTTCGGTGCTCTTGTCTTTGCTCTTTTTGTTAC  
AGATGTTGATCCGGCGGTTGCTTTTGTGTCCTACGCCGAGGAAATTGCAGACGGATGAGCTCGCTACAGTT  
CGTCTTTTTCAGGAGAATACTCCTTCTGTTGTTTATATCACGAATCTTGCTGCTAGGCAGGATGCTTTTACTTTA  
GACGTGCTGGAGGTACCACAGGGGTCCGGTTCTGGATTTGTGTGGGATAAGGATGGTCATGTTGTACCAAT  
TATCATGTTATTCGTGGTGCTTCTGATCTCAGAGTCACTCTAGCTGACCAAACCTACTTTTCGATGCGAAAGTTGTT  
GGATTTGACCAAGACAAGGATGTTGCTGTCTTGAGTATCGATGCACCTAAAGACAACTAAGACCTATACCTG  
TTGGTATATCAGCAGATTTGCTTGTGGTCAAAAGGTTTTTGTCTATTGGAAACCCTTTTGGACTGGATCATACT



CTTACAACCTGGTGTAAATCAGTGGCCTTCGGAGAGAAATTAGTTCTGCGGCTACTGGTAGGCCAATTCAAGATG  
TCATACAGACAGATGCTGCCATTAATCCAGGAAACAGTGGAGGACCACTTCTTGATAGTTCGGGGAACCTTAT  
CGGAATAAATACGGCAATATATTCTCCTTCTGGGGCGTCCTCTGGTGTGGATTTTCAATCCCTGTTGACACAG  
TGAGTGGTATTGTTGATCAGTTGGTGCGATTTGGGAAGGTGACAAGACCAATTTTAGGAATCAAGTTTGCTCC  
CGATCAGTCTGTGCAACAGTTGGGTGTAAGCGGAGTGCTTGTCTTAGATGCTCCTGCTAATGGTCCTGCTGAG  
AAAGCTGGCCTGAAACCGACTAAGCGCGATGCTTATGGTAGACTTATATTGGGAGACATAATAACATCAGTG  
AATGGGAAAAAGGTCACAAATGGAAGCGATTTGTATAGAATTCTTGACCAATGTAAAGTTGGTGATAAGGTG  
ACTGTGGAGGTACTACGTGGTGATCACATGG

>trans\_c\_1050 XM\_002313764|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit  
(CHB901), mRNA

CAGGCATTGTGAAGGAATCTGAAAATTTAGAATCAAAATTGACATCAAATCCAGTTGAAACGTCGGGAGAAG  
GAACTACTGTTGAAAAACCATTAGAATCAACGTTGTCATCAAATGATGTACATATGTCAGATTTGCAGCATGCT  
GAAAAATCTGAGATTGAGAAACAAGTTCCACCTCATTCTGCCAAAACATCAAAAGAAGTAGATGATGAGACAA  
AACGTTTATCATCTGGGGATGAGCCTCAACCAATAAGTTCTGCTAATTCTGTGAAAGAAGCCTCAAACGATGT  
AGCTATGGTGTCCGATTCTCATGATAAGAATGAGGCTAGACAAACTGAAACATCTAAATCTTTGGTTAACCAG  
GGACCAACAAGGTCTCTGATTCTTGGCCCTCAGAAGAGAATGCGAGTACAGAACCAGTCAAACCAAATTCAG  
CTGTTGAAAGAAGAGCAGATGATAATCAAAGCAAGGACAATAAAGAAGAAAACTCCAACAGTACAGGTAAA  
AAAGAAGAAAAGATTGATAAGCTGAAGTGTGCTGCGGTTACAGCACTGTCTGCAGCTGCAGTGAAGGCCAAAA  
ATACTGGCTAATCAGGAAGAGGACCAAATCCGTCAACTTGCCATGATCTTAATCGAAAAGCAGCTGCACAAGT  
TGGAAGCAAGTTAGCATTCTTCAACGAGATGGATAATGTGACAATGAGAGTGAGGGAGCAACTAGACAGG  
TCAAAGCAGAGGCTTTTCCAAGAACGTGCACAGATAATTGCCGCTCGACTCGGCCTACCTGCTTCGTCATCAC  
GAGGTGTGGCACCGACGTTACCAGCAAATAGAATGGCCACGAACTTTCCAAACTCAGCCCCAAGGCCTCCAAT  
GGGCATGACACCCCAAGGCCACCGACTTCAGGTCCGCCGGGTATGGCTCCTACTAACCTTAACCCCAATAT  
GCGACCAGCAGTACAACAATTTCTGGAAGTTCAATTGCCCCTGCGAATCAGGACACACTTTCTTCTGTTGGGAC  
CAAGTAAAACTCAACATTAGCTTGCAAGTTGAGATTGCAACCATTTCAATACAGTAGAATTCACCTTCAGTTTAC  
TGTGTAACCTATTTGATTTTAATGTTGTATTATATTCAATCAACTAGGAACATTTTGAAATTTGGAAGGAAAAG  
AAAATCCAATGTAGCTCACCTGACTTTGCAGTTCAAAAA

>trans\_c\_1051 NM\_122911|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-  
containing protein (AT5G35200) mRNA, complete cds

CACCATTTCGTAAGGAACAGGTTGCTGATAATAAACTGGCTGCCCTAAAGAAGTTTTGGCTATTGAGTACAAG  
AAGGAACCAGCAGTGCAAGCAGAACAAACGGTGGCATCTCGCCAGCCCCGTCTCCCCACCACCTGAACCA  
GTTAAAGTAGAACCAGTCGTGACTGAACAACCTGACTTGTTGGGTTTGAACGATCCCGTACCTGAGGTTACTT  
CCAATTTAGATGAGAAGAATTCTCTGGCGTTGGCTATTGTCCAGTTGCCGATCAACAAACCAGTTCTGCTCCA  
AGCCAAGTTAATGGTACTACAACCTACAGGCTGGGAATTGGCACTCGTCACGGCACCAAGCTCAAATGAAAGT  
GTAGCTGCTACAAGCAAATTGGCTGGAGGGTTGGACTTGCTTACATTAGACAGCTTATATGACGATGCAATCA  
GAAGAAACAATCAGAACGCGAGTTACAATCCATGGGAGCCAGTCCCAATGCATGGTGCCATGATGCAACAAC  
AGCCAATCCACGATCCCTTTTTCGCCTCGTCTGCAGTGGCTGCCCTCATTAGTACAAATGGCAGCTATGGCC  
AACCAGCAGCAAGCTTTTCATGTTGCAGCAGCAGCAGCAACAAATGATGATGATGACCCACCACCTCAAC  
AGTCAAATCCTTTTCGGAATCCTCATGGAACCAACCCCTACCAGTACGGTCCGGGTATGCCTATTCATGCTTCC  
AATCCATATGGTCTCATTTAACATCATTCAAAGAATTTACTCTGATAGGGATGTTAATTGATCAATCATTCTTGG  
AATTTGGGGATTGATAAATATGGAGTATACAGATGTACAATATGTTGTGTATGTGCAGTAGTTAAGTTTAGGT  
TAGGATGAGATTCTTTGATAATAATTAGTGAGACAGGATTTTGATTGATTATTTGTGTCATGGAAAGATGGTA

ATAATGCTTTAGATACTTGGCAAAATTGGTGTGCATCTGCAATTAACCGGGAAATTTCAACTTTTTTTTTTTTCCA  
TTTTCATTTTCATGTAAAACTCTGTAAAATCAGTATGTAGCAAATTTATTTAAACCCCACTTTGATATTTACCCTC  
TAGGAATTGTTTTGGATTGTCATCTTTACCTCCCGAGAGGAAAAATTAATAAATAAAAGACAAGATTTGTAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1052 FJ970489|Juglans regia cultivar Franquette aquaporin mRNA, complete cds

ACTGCTACTAAAGACAGAACCAACGTCTTCGTGAGCACAGATAAGTTTTCCGAAATGGAAGGGAAGGAGGA  
AGATGTTAGACTTGGAGCTAACAAATTCAACGAGAGACAGCCGATTGGAACGGCGGCCAGAGTCAAGATGA  
CGCTAAGGACTACAAGGAGCCACCGCCGGCCCCGTTGTTTGAGCCAGAAGAGCTCACTTCATGGTCCTTCTAC  
AGAGCTGGAATTGCCGAGTTTTTCGCTACTTTCTCTCTACATACCGTTTTGACCGTCATGGGTGTCGTC  
CGGTCCAAGAATATTGAGGGGAACACGTGTAAGACAGTCGGAATTCAGGGTATTGCTGGGCATTCGGCGGT  
ATGATTTTTGCTCTGGTTTACTGTACTGCTGGAATTTCCGGTGGGCTCATTAAACCGGCGGTGACTTTCGGGCT  
GTTTCTGGCGAGGAAGCTGTCGTTGACTAGGGCGATTTTCTACATGGTGATGCAGTGCCTTGGTGCCATCTGC  
GGTGCTGGTGTGGTGAAGGGGTTCCAACCAAGCTCTACGACACCCTCGGCGGCGGAGCTAACATTGTGAGC  
GAGGGATACACCAAAGGAGACGGCCTTGGCGCTGAGATTGTTGGTACTTTCATCCTTGTTTACACCGTCTTCTC  
GGCCACCGATGCTAAACGTAGCGCCAGAGATTCACATGTTCCGATATTGGCACCATTGCCAATCGGATTTGCA  
GTGTTCTTAGTTCACTTAGCCACCATTCCGATAACGGGCACCGGCATCAACCCAGCCCGGAGCTTGGGAGCTG  
CCATTATTTACAACAACGAGAAAGCATGGGATGATCACTGGATATTCTGGGTGGGACCTTTCATCGGCGCTGC  
TCTTGACAGAGAGTGCACACCAAGTTGTAATCAGAGCCATCCCTTTCAAGTCCAAGTGAAAATCTTATCTAAATC  
CATGATGCTTCTTCAATCAATCACAGCCGTCCGATCCGAAAAGAAGAAAAAAGAAGGCTGTTTTCCCTTTTGT  
GTTGTATTTTTTTTCTCTAATGGTTTTTAAATTTCACTTTGGGACCCAATTGGTAAGGGAGTGCAGTGTAT  
CTGTAATTATATGTGTGGCTATGAAGCTATGTAATGGTTAATTTCCCGAAAAAAAAAAAAAGTGAAATATGATA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1053 AY054683|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g18050; MRC8.3) mRNA,  
complete cds

ATTCTTCATTCCCTCAACTTTGTCAGCCCCATTTGCCTTTTTCTTTGTTGTTGTTCTTCATCTTCTCCTCCCTC  
CTCCTTTGCTTCCTTTTTTGTAAACCCACAAACCCAAAAATCTCACTCCAACTTCTATTCTTCAGCCATTACCTA  
ACTTTACTCATTCTCCTCTTTCTCACTACCCCACTTCTTCAATTTCTTTCCCTCATTCTCATTCTTCCCAATGT  
CTTCAATCCCACAAATTTTTCTCATCTTCTCTCGTTTTCTCTTTTCCCCTCGTTTTTCTCACTTCCCCATCCAG  
ACCCACTTACAATCCGCCCATTTCAGTAAACCAGTCGCCACCGGCTACTATTCCGGCGTTCCAGAACAAATCC  
GATGTTTCAGGGCTGCCATTAGACCTCCCCGACGAGCTTTTCCATGGGATTAAGACGGCTTGTGGTCCTTCAA  
AAGGGGGTATCTCCGGGCAGCTCCATCGTAGCCGGTGCTGTCCGGTTTTGGCTGCTTGGCTTTACGCTGCTTA  
CTCAGCCACCGCATTGCAGAGGGCCGGTCGAGGTGGGGTTGTTCCCGGTCACACAGCGCCATCGTATGACCT  
ACCTTACTGCCCAGTACTCCGAAACTTGCGTGAGTAAGTTGGATCAAGCTTTGAATCAAAAGGGTATTGAG  
TTAATGAAGCCTAACGAGACTTGTGATGTGGTTTATTGTTATTTGTGGGATCAGATTGCATCCTTTGAGCTGCC  
CTGAAGCGTTTTCACTGAACCAAAATGGGATTCTTGAAGGAAATAGAAATGTGAAGAGATTGGAGAGAAATT  
GCTTGAGTAGTGGCAATGTCAATGGATTTCCAGGCCTTGGTGGCTGTTCTAAATGCTTAAAAAGTCTTTATCAG  
CTCAACAACAAGGAACTTTGAATTCAGCAAACAGAGAACAGGACCACCAAGATGCACCACAAGGAGTGT  
CAACTAATGGGTCTAACATGGCTTCTTGCCAAGAACCGAACGGCGTATATCCGCACCGTAACGTCAGTGCTTC  
GAGCTAAAATGATGACCGAAGATGGGTGAGATCCTCGGTGATGTACTCTCAACAGCGACGGGATGCCTTTGG  
CTGTCGATTCGGCTGAGATCTCTGGCAGTTCTGTTCCAATCCCTACTCATACACTATTGTATCTTGGTCTAGTT  
GGGCTGCTTTGATGTACAATCTGA

>trans\_c\_1054 XM\_002318603|Populus trichocarpa nucleobase ascorbate transporter, mRNA

AGTCATTTTCTGTGTGGTGATAGTGTGGATTTATGCTCACCTACTGACAGTAGGAGGGGCTTACAAAGGTTCA  
CCACCTAAAACACAATTAAGTTGCCGTAAGTCTGATCGCTCTGGGCTTATAGACAATGCTCCATGGATAAGACTTCC  
ATATCCATTTCAATGGGGAGCACCTTCTTTTATGATGCCGGTGAAGCTTTTGCCATGATGATGGCATCATTTGTTG  
CTTTAGTAGAGTCTCCGGTGCGTTTATTGCTACGTCCAGATATGCAAGCGCAACTCAGCTGCCACCCTCTATT  
CTAAGTCGTGGTGTGGCTGGCAGGGAGTTGGAATTCTGCTTTCTGGGCTGTTTGGAACTGTGAATGGATCCT  
CGGTGTCTGTTGAAAATGCTGGTCTCCTAGCGTTGACCCGAGTTGGCAGTAGAAGGGTTGTGCAGATTTCAGC  
TGGATTCATGATATTCTTCTCAATTCTTGGGAAATTTGGAGCAGTCTTCGCATCCATTCCAGCCCCCATTGTTGC  
CGCTCTGTACTGTCTTTTCTTTGCTTATGTGGGCATGGGAGGTTTAAGCTACCTCCAATTCTGTAACCTCAACAG  
CTTCAGAACAAGTTCGTATTAGGCTTCTCCATCTTCTGGGACTCTCTATACCACAATACTTCAACGAGTACAC  
AGCCATTAATGGCTTTGGTCCAGTCCACACAAGAGCAAGATGGTTCAACGACATGGTCAACGTTCCATTCTCTT  
CCGAGCCATTCGTTGCTGGAATCGTTGCATATTTTCTCGATAACACGATGCATAAAAAGGATGGTGCCATCAG  
GAAAGACCGAGGCAAACTGTTGGGACAAGTTCCGATCGTTTAAGGGCGATACGAGGAGTGAAGAGTTCT  
ACTCTCTGCCTTTCAACTGAACAAATATTTCCCATCTGTGTGATTTGTGAGATCTTCTGTAAATGCTGCTGCT  
GCTGCTGCTGCTTCTTCAATTCAAATGGGTCTGTGGAATTAACGAGAAGATAGAGTCATTATCTTTTTTAAT  
TTATTGCCAGTAACATCTGTATCTTCTTCTTCTCTATAGGATCACCTTAATTAATAACTTCATTTAATTGCTTCT  
CTTTGTATATCCAACGAAGAGGTGGATTCGATGTGTCTATGAAAAACAAATGTCCCTTCTATTTTTTCCCGAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1055 DQ205339|Brassica napus hairpin-induced 1-like protein NHL18B (HIN1) mRNA,  
complete cds

CCTATAATCTCTCTTAAACCACCACTCCCCATTCAACACAAACGCTATTTCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCGC  
CGCCCGGAACAGCCATGGCCTACGACTGCGAGAAGCACTGCAAGAAGAAACGCAAGAAGCTCATCAAATAA  
TCGGCGCAATCATCGGCATCTTCATCTTCTCTCGTCTCCTCACCATCCTCATCGTCTGGGCAGTCTCCGTCCCA  
CCAAACCCACTTTCTTCTTCAAGACGTACCGTCTACGCCTTCAACGCCACCGTCCCCAGTTTCTCACCTCCA  
ATTTCTCCTCACTATCTCCTCTCGCAACCCAAACCGCCGAATCGGAATCTACTACGACGAACTCCACGTCTATG  
CCATCTACCGAAACCAACAGATCACTCTCCGACCATCATCCCTCGCTTCTACCAAGGCCATAAGGACGTCAAC  
GTATGGTCCCCTTTCTGCTCCGGCACCTCCGTGCCGGTTCGCGCCCTTCATCAGTTCGGCGCTGAATCAGGACAG  
GAACGCCGGAGCACTGATGATCCTGGTCAAAATTGACGGCAAGGTTTCGATGGAAGGTTCGGAAGCTTCATAAC  
TGGGCGGTACCAATTCCACGCGAACTGCCCCGGTGGTGATAAACTTCGGTGCGTATCCGGCGAACGGAGACGG  
GTCGATGGTTCAGTATAACGTGAAGTACCAAGTGGTTCAGAGATGCGACGTTAGCGTTTGAGTTTTCTAGAA  
AAGCTAAAATTGGCTAAAAATATAAACGCCGTTAGTTAACGGTTTGTTTCATTTGGGTAAATGTGTTTTCTGTG  
TGAATTTATTGTTAATATTGGAAAGTGTATACAAAAGGCACGAGCGGGTGTGCGAAAGGAAGCAAAAGAAA  
AGGAAGGATTAGCCAAAAAGAAATGTGTTTAATAAATGAGATTAAATAGTGACAATGTTTGTTAATTATTAC  
TCATTTAGTGTCCATTTCTTTGTTTCTTCTACCATTATCATTTATTACCATTGCTATTTTCTGTACCCATTTATT  
TCTGGAAATATATTTATACATTTTCTTATTATNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCC  
CCCCCAAAATTTAACAAACCCCCCAACCCCC

>trans\_c\_1056 AF022461|Glycine max cytochrome P450 monooxygenase CYP82C1p (CYP82C1)  
mRNA, complete cds

ACACCACACAAAAGGCTCCCACTAATGGAACTTTTGTTAGCTTTAGTATCCTCTCCCCATACTGGAGTTGGAAT  
AGTGATTGCTATATTTCTTCTCGTACCGTTTGCCTATAACCTCTTCAGAATATTATCCAGTTCCCAACATGGGAA  
GAACTGCAGCCACCTGAGGCCGGTGGTGCCTGGCCGGTGATCGGTTCATCTTCTACTAGGTGGGTGCGGA  
ACCACTACACAAAGTCTAGCGGCTATGGCAGATGCTCATGGACCAATTTTACGTTGAAATTGGGAATGCAT

AGAGCAGTGGTTGTAAGCAATTGGGAAATAGCAAAAGAGTGCTTTACTACAAACGATAGAATATTTGCATCCC  
GCCCCAACTAACTGCCTCAAAGCTTCTAGGTTATAATAATTCCATGTTTGGGTTTCAGCGAGTATGGTCCATAC  
TGGCGCCACATGCGCAAAATAGCCGTGCATGGTCTCCTCGCGAGCCACTACATGAAGCAGCAGCTTCAACTCA  
TCTTAGAATCGGAGATTGAGAGTTGAGTTGGAAAATTATATGATTTATGGGCGAATCACACAAAAAGAAGCGA  
GCAAGTGTATTATTGGTGGAAATGAATACGTGGTTTCAAGACATAACTCTCAACACCATGTTTAGGATGGTG  
GTTGGAAAGCGATTCTCAACGGATTTGGAAGACAGTAGAAATCAAGATTACCGAAAGGTGTTTCGGGATTTT  
GTTAAATTCCTTGGGGACTTTGTTCCATCGGATTCGTTTCCATTTTTGAGTTGGTTGGATTTGGGAGGATATGA  
AAAGGCTATGAAGAAGACGAGTGAGGCGTTGGATGAGGTGTTTGATAATTGGATCAGAGAGAAGAAGAATA  
ATTCAGGTGGCCATCACTAGATTTTCATGGACTTGATGCTTCCGCTGTTGAAAAGGATGAAGAACTGTCCGA  
CTACGATGGAGACTCGGTAGTAAAGCTAATTGTTTGGTATGTATAATCAAACAACACCATCCCTTCCCTGTTA  
TTTCTTCAAATATATATCAAACCCTTCACTTTATATATCAATTAGTTAAACCATTTTACAACCAAGAGAATATCA  
ATTCATAATTCTCTATTCTACCTTTGTATTATATTATATGTACCCATTTTTTGAATTATTATATTCTATTAA  
ATATCCAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1057 XM\_002869006|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata La domain-containing protein,  
mRNA

ATAAAAAAGGTATTAGTGCAAGTCCAAGTCCAAATCCAACTCCAGCTGCAACTCCAACCCTAACTCCAACTCCA  
GTTGCAACTCCAACCCTAACTCCAACTCATCGTCAAAAGTCAATGAAGCGTAATGGTGCTGCCAGATCATACA  
GTGGTGGTGTCTCTCAACAATCGGCAACTTCAGTTTCTACAATTGATACAACCTCTAGTAATCCTTCGTCTAAG  
GACCACATGCAGAGGAATTCATTTGCCTCACAATCACGCAATGATCATAATTATCAACATCAACATCAACCTAA  
TTCATTTAGGAGTCGTGGGTCTGGTTATCCACGTGGTGACAGTTCTCACCATCACAACCATGGCTCCAGGCGT  
GATCAAGACCGTGGAACCATGATTGGAATCCCCATCGAAATTATGGACAGCCTCAGAGAGTTGTTCAAAGAT  
ATATAAGGCCCTCCCCCTCCCCCTAGTAATGCTACCTTTATTCCTTCATCTATGAGGCCTCTCGGGGGTCTATAC  
CTTTCATGAATTTGTGCCTCCGGTGGTATATGTTGGGGCTCCTCCTCAAGAGGCCCTTAGAAGTGTACCTTTT  
GTGGCTCCAATGCCACCTAATGCAGTCTTTTTTCTGCTTCAGACCCTCAGTTATATGCTAGGATAGTCCATCAG  
ATAGAATACTATTTACCGATGAGAACTTAGTAAAAAATACTTACTTGAAAAGGAACATGGATGAAGATGGAT  
GGGTTCCAATTCATTTGGTTGCAGGCTTAAAAATGGTTTCGATCTCTGACTGACAATATCCCTGTGATATTGGAT  
GCTTTCGGTCAACATCCACTGTGGTAGAAGTACAGGGGGATAAGGTGAGGAGGCGAAATGATTATAGCAA  
ATGGATAATGCTTCCTTCACTCCAACTTCTAACGATGTTGCCCCATTAAGCCCCGCTAACTCCAGTCAAGATTT  
GCTGGCTGCTGGTGTTTACAGATATTACGTTGGAGACTTATAACAGTACAGACGTTTCGGGGAGATTTTAAAGTC  
GAGGCTCTGAAAGTAGATCACCTCGGAATTTCAATAGCCAGTCACAGCTCCAGGTACAGGAAATCCAAATA  
TTGGCGCAGTTTGGATCACTCCTTTCTGCGAGGAAATAGACCTTGACATGATGAAGCCCATGCCTTTATGA  
GTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1058 XM\_002319153|Populus trichocarpa cationic amino acid transporter (PtrCAT2),  
mRNA

TCGAGAGATGGGTTACTGCCTTCTTTTTTTCGGATGTTAATAAAAAAACTCAAGTTCCTGTCAAGAGCACCAT  
AGTAAGTGGTATTGGTGCTGCATGCTTGGCCTTTTTTCATGGATGTTTCAGATTTAGCAGGGATGGTTAGTGTT  
GGTACTCTTTTTGCATTTGCCACAGTGGCTGTATCGGTGTTGATTCTCAGATATATTCCACCCAATGAGGTGCC  
ATTGCCATCATCTCTTCATGAGTCATTTGATCCACTGTCCCTACCTATTCATACAAGCGCTGATGATGTTGATGG  
ACAATATACTGAGAACAATTCTACAAAGGACAGTGCTAGACCCTTGCTTGCGAAAGTGGAATTCATCAGTTGAC  
ATCCAATAATCGGCAGCTATCTCGCTCGACGTGGCTACGCTCTGAATGACAAGAATCGACGAAAATTTGCTG  
GATGGGCCATCTTGTCACATGCGTTGGGGCACTACTACTTACCTACGCAGCTACAAATCTGCGCCTTCCAAGC  
TATGTGCGATATTCAGTTAGTGGAAGTGGCGTTTTCTTCTTTTATCTGCTTTAGTTGTGCTGTCTGCATAGAC

>trans\_c\_1059 NM\_001051946|Oryza sativa Japonica Group Os01g0951100 (Os01g0951100)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_1060 NM\_126156|Arabidopsis thaliana ATARLA1D (ADP-ribosylation factor-like A1D); GTP binding (ATARLA1D) mRNA, complete cds

[illegible]

AATTGTAAGAGGCATGTTTCTAGTTGGCAAATATGTCGGTTGTTCTTGTCATCTGAGCTTTTGCTGATATATG  
AATATCCAACCTCCCTGTCTGTTGCTGTGTTTATACCTTCGCACATACCTATTATGTACATTGGTTTAGATTGT  
ATTTGATGAGGGCTGTGATTCTTGTGTTGGAAGGAAAAAAAAAAGGAGGGAAAACAGAGCTTGATTTTGATT  
GTTGCTATAACTTCCATTTGACTATGTGGATTGTCATCTAAACATTTTTCCCTTTGTGTATGATTCTATCTGTTAC  
TTGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1061 FJ194966|Gossypium hirsutum E6-1 protein kinase (E6-1) mRNA, complete cds

ACTATACACACAACACAATACAACACAACACAACACAGTTGAAACAACACTCACACAATACCTTTTATCCCT  
CTCTTAGCTTGTCTTAGCTTCTTCTTTCAAGCCAAGCCATTCATGGCTTCCTCACCCAAATTATCACTTCTATT  
CTCATTCTCACTTCTTTTCATTCAAATCCATGCAAGAGAAAGCAAGTACTTCTTCAGCAAAATACCCAACAAC  
AATGTTCAACAACAACAACAACAACACTTTGATGCCAAAGAAACCCAAATCCCCAACGACGAGAATGTTGATC  
CTTTAACAATCCAGAAAAAACCACTTCCCCACAAGATCAGCAGCCAAATTCATCCCTCAAACCAAGAC  
AACGGCTACGGTCTATACGGTCATGAATCCGGTCAGCTCCCCCTAATTCGACAGCAAATCTTCTCCGACAA  
TAGCCGCGAAAACGGCCGCTCTTTTACCACTACCACCACCTACGACAACAACGATAACAAATTCAGAAACGAT  
GTCGTTTCTAATTACAAATCTGAGTCAGAAGAGTACTACAACTACGAGGACAACAACAACAACAATTTCC  
AACTTTTGAAAATAGCAACTCGAAGCCATACGAGAATTCGTTTTACTACAACAAGGATCTTTACGACAACGG  
ACGACAAAGCTTCCAAAACACCCGCCTTTCCCGAGATGATTACACTACAACTCCTCTGTACGACCAGGGAAAA  
ACGACAACCTTCTACAACAGCAACAATGGCGGCGGCGACAACAACAACAATGGGAATAATATGGTACGACAAG  
GAATGAGCGACACGAGATTCATGGAGAATGGAAAGTACTATTATGACCTCGACAGGGAGCCACACCATTACA  
GCAGATCCAGGGGCTATTTCCGGAACAACATCAACAACAACAACAACAGGAATTCATACGAGTACGGTAATT  
CCATGGGAAGGTATCAGAATCAAAATGATGAAGCAGAATTTAGGAGGAAACCGATGAGTTCGTGCCATAAA  
TGTTGTTCCACTTCCAAAATAAGAGAAAAAAAAAATCATATATTTAATTTAGTTGTGCATGCAAACCTATATCT  
CCTTCTCTCCTAGTTTTACGTTTGCTTAATTCATTCATATTTAATTGTGCTTCTTTTCAAAAACCAAAACCTC  
AGTCCACCAAGATTAAATTATATATCTTA

>trans\_c\_1062 AF064064|Arabidopsis thaliana cultivar Columbia flavanone 3-hydroxylase (F3H)  
gene, complete cds

ATAGCTCATTTGTAGCATTTAAGGTCAGCAGCATACTCCAGCGTAGCCATGGCCACTTTTACTGAGGATGAAAT  
TCCGGTCATTTCCCTTGCCGGAATCGACGACGATGCCACATGGCCGCGGTGAAGAAGAAGATCGTGAGGGC  
CTGCGAAGTGTGGGAATATTCCAGGTGGTTGACCACGGTGTGACCCAACTTATTGACGACATGATTCGT  
CTCACCACCGAATTCTACTATTTGCCACCGGAAGAGAAGCTCCGATTCGACATGTCGGGCGGCAAGAAGGGC  
GGATTCATGATCTCTACTCGACGAAAGGGAGACGTAGAAGATTGGAGGGAAGTGGTAACGTTCTTTACATAT  
CCGAGTAGAGATCGAAGGTACTCGGAATGGCCGACAGCCGGAGGGTTGGATCAAGACGACGGAAGAATT  
CAGTGAAAAGTTGATGGATTTGGCTTCCAAAATATTGGAAGTGTGTCGGAAGCCATGGATTTGGAGAAGGG  
AGCTCTTAAGGAAGCTTGTGGAGAGTTGAATCAAAAGATTTTGACCAATTTTACCCAAATGTTCCAACCTCCG  
ACCTCGAACTCGGCCTCCCTCGTCACACCGACCCTGGAACCATTAATTAATTAACAGGATCAAGTGGGTGGT  
CTTCAAGCAACCAAGATGGGGCCAATTCATGGATCAACATCCCACCCATGAAAGGAGCTTTTGTAATCAACA  
TTGGAGACCATGGTCATTATCTTAGCAATGGAAGGTTCAAGAGTGCGGATCATAGGGCATTGGCAAACGCAA  
AGAGTGACAGATTGTCGATAGCTACGTTTCAGTATCCAACACCAGAAGCCATTGTTTATCCATTAAAGGTTGGT  
GAAGGGGAAAAGGCAGTGATTGAGAATCCCATAAGCTTTGCAGAGATGTACAAGAAAAAGATGAGCAATGA  
ACCTGTTCTTACAATGTTTAATCATAAAGGACACAACAAAATCAATCCTTCTACTTAATTTATCCTACTTTAGTTA  
TAACTATGTTCTAGACCAACTTTTTATTTAGTTATATACGTCTCTTATATTTATGGCTGTTTTAGTTATCATTTTT  
TTTCATCATATTGTGATCATGAAAGCTTTCTTTTCTCTCTTTTGTGTATTTTAATTTATTTCAATAAACTATTT  
TCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1063 NM\_001061905|Oryza sativa Japonica Group Os05g0373900 (Os05g0373900)  
mRNA, complete cds

CAGCCGCATCCGCTAGCCAACTTCAATCTCTCTCCGATCTCTCTTGCCGACGCCAGTATTCTTCACGAGCTTAAT  
CCCTATCTGGAGGCCGGCACCAGCTCTCTCTCACCAACTCCAATCGCGGCGGCATCATTCTCTCTCCACCACCC  
ATCCCGCCGCGCAGTATTTTCGTTTATTACGATGGCTGATGCTCATGAACTGATAAGAACATTGAAATATG  
GAAAATTAAGAAGTTGATTAAAGCACTTGAAGCTGCAAGAGGTAATGGGACTAGCATGATCTCTCTCATCATG  
CCTCCGCGTGATCAAAATTTCTCGTGTTACTAAGATGCTTGGCGATGAATTTGGAAGTCTTCGAATATTAAGAG  
CAGGGTGAATCGCCAATCTGTTTTGGGCGCTATCACATCTGCTCAGCAGAGACTCAAGCTGTATAACAAGGTT  
CCTCCAAATGGGCTTGTTGTATACTGGGACAATCGAGACTGAAGATGGAAAAGAAAAGAAAGTCACTATT  
GATTTTGAGCCTTACAGGCCTATAAATGCATCTCTTTATCTTTGTGACAACAAGTTTCACACGGAAGCACTGAA  
TGAATTGCTAGAATCTGATGACAAGTTTGGCTTCATTGTCATGGATGGTAATGGGACACTCTTGGCACATTG  
AGTGGTAACACACGTGAAGTCCTTCACAAATTTAGTGTGACCTTCCTAAGAAACATGGAAGAAGAGGTCAC  
CAGCACTTAGGTTTGCTCGTCTTCGGATGGAAAATCGGCACAACATATGTGAGGAACACAGCACACCTTGCAAC  
CCACTTCTTTATTAATCCTGCCACTAGTCAACCAATGTTGCCGATTGATACTGGCTGGATCAGCTGACTTCAA  
AACCGAGCTCAGTCAATCCGACATGTTTGATCCTCGACTTCGGCCAAAATACTTACATGTTGTCAATGTCTCCT  
ATGGACGGGAAAATGGATTCAATCCGGCCATAGAATTGTCATCCGAAATCTTATCTAATGTGAAATTCATACA  
GGAGAAGCGCTTGATTGGAAAATACTTTGAAGAGATTAGCCACGACACAGGGCAAATATGTTTTTGGTGTTG  
ACGACACACTGAAAGCTCTGGAGATGGGTGCTGTGCAAATACTCATTGTTTGGAAAAATTTGGATATCCATAA  
GTACGTATTAAAAAATGCTTCCACCGCTGACATT

>trans\_c\_1064 AJ619691|Medicago truncatula rhoGDI1 gene for Rho GDP dissociation inhibitor 1

ACTGTTTTCAAATACAAATACAAATCGCCAAAATAGACAAAAGCGAGAGAGAAAAGGGGACAGAATGTTTCA  
TTGAGAGTACAAATGGGTACAATTCGCTGCCCAAATTTGAATCCCAAACCATTTATTCCACTATTTCTTCAGC  
TTTTCCACATCTTTAAACCCAAAACCTCTGTTTTTTGCTAAGGGATTTCTCGCAATCAGTGCGATGGAGGTTG  
GGAAGACGCTTGAGGAGGAAGCAGGGCCGTCGTCGCCGAAAAGTTGACGAGTTCCGGCGGGAAAAGGA  
GAGTGAGGAATCAGAGGTTGATGATAAAGATGGGTTCACTCCAGGGCCTCTGCTTTCACTCAAGGAACAGCT  
TGAGAAGGACAAGGATGATGAAAGCCTGAGAAGGTGGAAAGAAAAGTTGCTTGGCTGCTTAGAAAAGTGATC  
TGAGCGAACAAAGAGAACCTGAAGTCAAGTTTCATTCCATTGGAATTATCTCTGATGAATTTGGGGAAGTCGA  
CACTCCATTGCCGTAAATGAAAATGAAAGTGGTCTGTTCTTTTTACCCTTCAAGAGGGATCTCGGTATCAAC  
TGAGGTTGACGTTTACAGTTACGCATAACATCGTCTCTGGCCTGTCTACTCAAACAAAGTTTGGAGAGGAGG  
ATTGATAGATCGAACTCAAGGAATGTTAGGTACTTTTGTCTCTCAACGTGAACCATATGTGCAAACCTTGAG  
GAGGAAATCACTCCTTCTGGTGTACTTGCAAGGGGTATTTATTCTGCGAATCTTAAGTTGGAAGATGATGACA  
AACGGTGTTACATGGAACCTCCATATTCCTTTGAGATAAAAAAAGCAGTTAGCTCAGTGTTACATGGAACCTC  
CATATTCCTTCGAGATAAGAAAAAGCAGTTAGCTGAGCCAACATCGAGTCGATGTGTCTTTATTGCCATCTTGC  
TAGGACTATTCTGCCTTTTAAGTCCATTGCGTTTCTCTCATGAACTCTGATAATCTCTCTTACTTGATCCACAGT  
TGAAATGTGTAATTGGGTTTATGGTTTTCCATATTTATTTGTACCAACTCCAAAAACCTCTCCGAAACCAAAA  
TTTGAAACTTGAAAGCTATGGAATTGTTTTGACGATGGAAATGTAAACTTTTATAGCCAGCTATGAGCATCTC  
TTTCCCTCCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1065 Z25855|F.pringlei mRNA for H subunit of glycine decarboxylase multi-enzyme  
complex

AGAGCAAATCAAACAAAAAAAAAGAAAAGAAGAAGTAGCTATGGCTCTTAGAATGTGGGCTTCTTCTAC  
TGCTAATGCACTCAAACCTCTTCTTCATCTAAAACCATCTCTCTCCTTCATTCTCTCTCCAGATGCTTCTCTA  
CTGTTTTGGATGGGCTGAGGTATGCTTCGTCACATGAGTGGGTGAAGCATGAAGGCTCTGTTGCTACCGTTGG

CATCACTGACCATGCTCAGGATCATCTGGGAGAAGTGGTGTGTTGTGGATCTGCCAGAATCAGGCAGTTCAGTT  
TCTCAAGGTAAGAGCTTTGGAGCAGTGGAGAGTGTGAAAGCAACTAGTGATATCAACTCCCCAATCTCTGGTG  
AGATTGTTGAAGTTAACCCGCAGCTTAAGGAAACTCCTGGTTTGATCAATTCAAGTCCATATGAAGGGGGATG  
GATGATAAAAGTGAAGCCAAGCAATCCAGGTGAATTAGATTCTTTGCTTGGTCCAAAGGAATATACAAAGTTT  
TGTGAGGAAGAAGATGCAGCCCACTAAAGCTGAACAAACAAATGTTTCATCTCCAAACAGAGCTTAAGCTAAT  
TTCTTTTCAAAGCTGCTTGAATTGTTGACATATCACAAGCTATTTCTATGAAGAAAGAGAGCCAAAATAATAAT  
TACAAGTCCATTGTGAGTTGAAATGTGCCTAAGCATCTGAACTACATTCTTTCTTCAATGTTTATTCCACTTGAA  
ATTAATTGAATTTCTATGCCTTATTTTAGCCGTTAACTCTTGAATGTGCTGAATTTGATTGAATTCATGATACTC  
CTAACTTTTGAGTTGATATCTATTTGGTTGGTCGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG  
GGGCCCCCCCCCCCCCAAAACTTTATCAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCA  
AAAGGGGGCCAAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTAAACCGCCGGGAGGGGAAAAACCCGGGGTTAC  
CCCAATTAACCCCTTGGAACCAATCCCCCTTTCCCCAGGGGGGGAAAAACAAAAAGCCCCCCCCCAATCCC  
CTTCCCCAACATTTCCAACCCGAAAGGGAAAAG

>trans\_c\_1066 NM\_179519|Arabidopsis thaliana AAR2 protein family (AT1G66510) mRNA,  
complete cds

AAAATTAAGAACTTTCCCGTCCATTGCCTTCTTTATTTCTCACTCTCAGGAGAGATCCCGATCAGCGAAGAAAT  
CACCGAGCTACCCCCATCATTTTTTTGGAAAGAACAAGAGGAATTGAAACTCCAATTTTCTTTCTATAGTGTG  
TCTGAAGTTGAAATGGATCCTGAAACTGCCCTAGAGCTTGTAAGCATGGTGTGACAATTCTCCTCCTCGATGT  
TCCTCAGTACACCCTCGTTGGAATTGATACTCAGATGTTCTCTGCAGGGCCTTCTTTAAGGTATAAAGATGA  
TTCCTCCAGGGCCTCATTTCTTTATTACAGCTCATCGAGCAGAGATGGCAGAGAGTTTTACCAATTACTGGC  
TTTTTTGTAGACGCTGGTCCCTCTGAGGTTATTGTTGAGGTGGGATCAGAGGGAGGAGCGCCTGATAAAA  
GTATTAGAAGAAGAGGAGGAGCGATTTAGGGAAGCAATTAGAAGATTGGAGTTTGACAGACAACCTTGGTCC  
GTATAATCTGGGTCAATATGGAGAATGGAAGCGTATATCTAACCACATCAACAGTACTACAATTGAACGACTA  
GAACCCATAGGAGGTGACATTACTGTGGTGTGCGAACCTGGAATTTCTCAGAGCACTTCCAAGTCAGCAGTAG  
AGAAAGTTCTGGAGGATCAGTTGAAGGCTAGTAAGTTGCGAACACCTGTTGATTCATCTCAGAGAAGAGGAT  
GCTATTACAAAAAATTCCCATGTTATCAACAGAGGAGTCCATGGGCAGGAGCTTACTTATTTAAATCTCGA  
TAAGACCTTACTACTAGAAAACCTACTGAAAGAATATTTTGGAGGTTGAGAGGACCTACTTCTGGGGAGCTA  
CAGTTTGCATTGTTGTCTTTTTGATGGGACAATCACTTGAAGGATTTCTACAGTGGAATCACTAGTTACCT  
GTTTTTTGAGTGCACAGAAGCTCCTTTTTGCACAAGGAGTCACTATTTACAAAGTTCATTAAGGTTATCTACC  
ATCAATCGAAATTTGGATTAGAGAAAGATCGTTCTAATGATAAAGCAGGGTCATCATCAATATTGATAGACGA  
ATCATGGTTTTCTGCTGATAGTTTCTTACATCATTTATGTAAGGATTTCTTCTCATTGGTGCTAGAGGCTCCGGT  
TGTTGATGGGGATCTTCTGACATGGACAAGGA

>trans\_c\_1067 XM\_002880176|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata reticulon family protein, mRNA

ATTTTCGTTTCTTTTCAAATTCCTTCCGCTCTTCTTCTTCTTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT  
CTCTCTCGATCCATTCCCTTGATTTTCTCCTTGAGATTTTGTCACTTGAATTGTTGATCATGTGCGACCACGCT  
GAAAACACCGAACCGAAATCGGAGTCATTGATCGACAAGATAGTTGAGAAGATTCATGATCACGATTCATCTT  
CATCGTCCGGATCAGACGCCGAAACTGAGGGATCGGCTTCTTCTTCCACTTTGAAGGAGAAGGTCTTCCGGAT  
TTTCGGAAGGGAAAGGCCGGTTCATCATGTCCTTGGCGGTGGCAACCTGCTGATTTATTCTTGTGGAGGAAT  
AAGAAGATTTAGCCGGTGTTCTTAGTGGAGCCACTCTCATCTGGGTTTTCTTTGAGTTGCTCGAGTGCCATCT  
GCTTACGTTTATTTCCCGTTCTCTGATCCTTGCTCTTGGGCTCTTGTTCTTTGGTCCAATGCCACACATTTATT  
TACAAGAGCCCACCTCGAATCCCTGTTGTTCAACTCCCTGCGGACCCCTTCATGGAGTTTGCTTCACTTTGAG



AGCGGAAATTAATTGTGGTTTTGCACTATTGCGGGACATTGCGACTGGAAGGGATTTGAAGAAATTCCTCACT  
GCCATTGCTGCTTTGTGGGTTCTGTCAATTGTGGGAAGCTGGTGCAATTTCTTAACGTTGTTCTACATAAACTTT  
GTTTTGTTGCACACGGTCCCAGTCGTGTATGAGAAATATGAAGATAAGATCGACCCATTAGCGGAAAAAGCA  
GTAATTGAGTTCAAAAAGCTCTACGCTGTGTTTGAAGAGAAGGTCCTGAGCAAAATTCCAAAAGGCCCATGGA  
AAGGCAAGAAGGCTTAATTAAGCTGGCTTGGCTTTGGTGTCTTTTTTACCACAAAAAGCGGTAACCACATGTT  
TATTGATCTTTCTTCTGTCTTTTTGTTGCACTCATAGTTTTAGTTCTTTAATCATTTTCGGCGGTTTTCGCAAATT  
TGGTGGGATTTTTTTTTTTTTGAAATCTTATGCAAGTGTTCAATTTGTAAGTTATTAATTTGTATGGATAGTTTTT  
GGACAGATGGGTGCTTCGGTTTGTGGTAAGCTAATTATTAGCACTGATAGTTTCAGTTCCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1068 AF078082|Phaseolus vulgaris receptor-like protein kinase homolog RK20-1 mRNA,  
complete cds

ATAAGGGGAAGCTTCCAAACGGACGAATCCGTAGCGGTGAAAAGGCTGTCTCAAGCTTCAGGACAGGGAGA  
TGTTGAGTTTAAGAACGAACCTCTTTGGTTTCTAAGCTTCACCATCGGAATTTGGTTAAGCTTTGGGTTTCCC  
CCTCCAAGAAAAATGAAAAGGGTCTCGTTTATGAATTTTTGGCCCATGGAAGCCTTCCCCATTTCATTTTCGATCC  
ACTCAAGCGTCAAAGTTTAGATTGGGCAACTCGGTACAAAATTATATGAGGCATTACTCGAGGACTTACTTAT  
CTTCATGAAGATTCTCGAATCAAAATTATTCATCGAAACCTAAAAGCCAGCAACATTTTATTAGATATAGAGAT  
GAATGCTAAAATTTAGATTTTGGTATTGCAAAGCTATTTGCATCCGAACAAACACAAGGTGATACAAGTACG  
ATCAAGGGCACTTCGGGGTATATGGCTCCCGAATACGCAAGGCATGGACATCTTCTCAAAGTCAGACGTTT  
TAGCTTCGGTGTTTTAGTTTTAGAGATTGTGACCAGACAAAGAAATAACCGAACTTGAACAACATTGAGAA  
CATACAACACCTCTTATAAGCTATGCCTGGAGAAATTGGAGGGAGGGAACACCATTGAATATTGTAGATCCT  
TCTATTGAGATACAAAAGGAAGTAGAAAAATGAAGTGACAAGAATCATTATGTGCGGTTACTATGCATTCAAG  
AAAAGTTGACGAAAGGCCAAAAATGACTACTGTACTTCTTATGGTCAACGGTGAAGTAACTGATTTTCTTAAA  
CCTTCCCAGCCATCTTCTTTATGAATGCAAGTACCCAACAAAATTGCTCTTAGCCAAAGATTATCCACATATCA  
CAATGGTATATGGAGAAATTGGCGATCAGGAAATGAAGTAGATGTTATTGACTCTTATTTGAAAAGTGATTCA  
AGAATTGAAATGGCCTAGATGCATTCTGTTGGGATTGCTGTGCATTAAAAAAAATCCACTCCCAAGGCCCT  
CCCAACCAGCATTTTTCATCAATACTTCTTGCTCTCCAATGTATAGACAGTTTGAAGACTACACAGTTCAACTCA  
TGTGTTCCAAATGACTTGCAATTATCGAATTATCCTCCTTTAGTTTTACTTTATCCCATGTATATCTTATAGT  
TATGAATGTTATATTCCTTATCTCGATC

>trans\_c\_1069 AY108970|Zea mays PCO099268 mRNA sequence

TGTCTTTTCGGACTTCGATGCACAAAAATATCTTCATCCTTGAAGCAGGTTCTGCAGTAGAAGATAACTGCCGG  
AGGTACCGTTTCCTTATCCGTTCCCGCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAACATTGCCTCCAAAAACCCTACCTA  
GAGAAAAAAATATGCAGACCTTATTCTGCTCCCATCTTCATCTTCTCCCTTGCCATTTTCAAGCTCAACCA  
AATCCTCTTCTCCCCATCTTGTTTCTACACCGCGTTTAACCTCAAAAAGAAGACCCGCTTCCACCACTCGAGCA  
CTTCTCTCAGCTCATAGAGAATCAGTTCTGAAGGATTTTCAGGAGCGACGAGCTCTCAAGATTATTTAGGCTT  
GCAGAACCTTGACAGGGAAAAATGTGGCATCTGTAGTCACCGCAGCAGACAAGGGGGGAGCGACTCATGTGCG  
ATATAGCATGCGATGCAGAGTTAGTGAAGCTTGCCATTAGTTTAACTTCTTCCAGTTTGTGTTTCTTCTGTGG  
ATCCAGCAGAATTCTTACCTGCTGTTGAAGCTGGAGCATTAAATGGTAGAAATTGGAACTATGATTCATTTTAT  
GAGGCGGGAATAATTTTCTCTGCAGATCAGATATTAATCTAACAAAAGAGACTAGGAGGTTACTGCCATCTG  
TGGCCTTGTCGTCACCGTGCCCCACACACTTGACTTCTGATCAGGTCAAGCTGGCAGAGTTGCTGGAACA  
GGAAGGTGTCGATGTTATACAACTGAAGGAGGAAAAATGCTCTCATCCTTCAAAATCTGGCATCCTCGGCTTG  
ATCGAGAAGGCAGCGCTACACTAGCAGCTGCGTATTCAATCTCAAGGGCTGTAAAGATTCCCGTTATGTGTT  
CGTCTGGATTAAGTGCTGTCACTGCACCAATGGCTATCACAGCTGGAGCTGCAGGCGTGGGCGTGGGATCAG

CAGTTAACAAGCTCAATGATGTCGTAGCGATGATTGCAGAGGTTAGGAGCATTGCTGATTCTTTAACACCATC  
GGCTGCCCAGCTAAGCAGACCCAATAGCGCGTTTTTGAATTTGTAGATTATGGTTCTTGTGCATATGCGAA  
TATTAGCTTGCTTTGCCAGCGCACGGTAGGAAACATTTGCCTTAAATAAGATCCCTTCATTTGGCTTTCCCCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1070 NM\_116528|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family  
protein (AT4G02940) mRNA, complete cds

AGAGCCAATTCCGCATATTCTTATGACGGTCATAGATCATCTCATTAGTGGCAACTGATTCTGAGTACAAAA  
GACCAAATGGATGTCTTTTCAATTTCTTTGAAGAGGGTGAGTATTACAGCCATTCCAGAAACCTCCACATTTA  
GAACAACCCATTTCCACTCTCGTCCTTTCTGAATCAACCATGGCTTTTGGGCGTTCTATTGTTAGTGATAATGAA  
GGCAACTATAAAGGGGCACTCACGTTGTCCTTGAAGGAAGGGTCACTTTTGGTCATGAGGGGCAACAGTGCA  
GATGTTGCACGCCACGTCATGTGCGCATCTCCTAATAAAAGGGTCAACCATCACGTTCTCCGAGTTCGGCCAG  
ACTATGATCAATGCCAATCACCAACCCCTCAGATGTGAATGCTATGACTCTATGGCAACCGACAGTTGCAGG  
TACATGCGCCTTGCTAATGGAGCCACCTATGGCTATGAAGCAATGGAGGTAATGCCAAAATGGGGGATCCTT  
CGTGACCCGGTGGTCATGTTAGCTCCTGTGCGCCCTATGGTAATGAGCCCTGGACGATCTCAACGTGATGGCA  
CTGGAGTTTTCTTACCATGGGCTGTTAATACAAGAAAACCAGCAAAACATCTTCCTCCTCGTGCTCGAAAAGGA  
CGGTTCTTGCATTACCTCCCGCTGTGCAAACTCGTCTACCAGACTCATCTACGAGCCAGGCATAAGTGTTTG  
AGTTTCGACTACCAAACCTCATCTCACAAGCTAGACATAAGTGTTTTGAGTTTGAAATCAAAGTTGTGGCAGTTC  
TGAAGTCGAAGCAACACGACTCGACTAAGTAGTGTTTTGTCCTTTTACAAATGATCTGAGTGAGTTTTTTTCCC  
ATTCCACCCCTTCTCCCAACACCACAAAACCGCTTATTTATTTGGATCCCATGTTCTTAGGGGTTTTTTTTTTTC  
TCTCTTTCTAGATGAAGTTGAGGTTCAAGTTTGAAGAGTGAAGTAGAGGATTTAGGTTGGAATTTTGTATTAC  
TAATTGTATTTAAATCTTCTTTCTTCTAGACTTAACTTGAAGTCTTTTCTACTGGGTTTACATGGATTTTTC  
TGCTTCTGTTTCCCACTAAACAAAATAGTTTAGAGGAAGCAAAATTTGCATCAGTAAAATGATTGATTGACCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1071 GQ377254|Populus trichocarpa DHAR class glutathione transferase DHAR1 mRNA,  
complete cds

ATTTGTTCTCTCACAGGAACACAAACCTCATCTCCAACCTCAAAATCCCCCTTCTTTCTATCACACGATCACTTGA  
ATTTCAATCCATTGGCGACGAGCTAATGTCGGCCTCCAGAATCCAACCAGCAGCTTCTGTTCTTTCCACTTCCAT  
CAAGCGCCATACGGGTTTTAGTTTCCACCTTCTTCTATTCTCGGTTTCTCCTTTTACCATTCTTCATTCTCCT  
TCAGGCGCTCTGGACTTACACGATCTCTCTGTTTCCATGTCTGTTGCCCTCTTGAAGCCTGCGTCAAAGCTT  
CCACTACCCTACCAACAAGCTCGGCGACTGCCCTTTTGTGAGAGGGTATTACTGACTTTGGAGGAAAAGCA  
TTTACCCTATGACTTAAAGTTGGTAGACCTTTCAAACAAGCCAGAATGGTTCTTAAAAATAAATTAGAGGGGCA  
AAGTTCCCGTCGTTAAATTTGATGAGCAGTGGATTGCAGATTGAGATGTTATAACGCAAACACTAGAAGAAAA  
GTACCCAAATCCACCTTTAGCAACCCCTCCTGACAAATCTTCAGTAGGATCAAAGATTTTTTCCACATTTATTGC  
TTTTCTAAAGAGCAAGGATCCTAATGATGGAACAGAACAAAGCCTTGCTTAGTGAGCTAAGTTCTTCAATGATC  
ACATCAAAGAGAATGGCCCTTTTATCAATGGGAAAGAGATTTCTGCTGCAGACCTGCACTTGGTCCAAAGTT  
GTACCATCTAGAAATTGCATTGGGTCACTATAAGAATTGGTCTGTTCCAGACAGTCTACCTACGTAAAGTCGT  
ACATGAAGAGCATATTTTCAAGAGGATCTTTTGCAAAACTCGTGCAATTGCCGAGGATGTTATTGCTGGTTG  
GCGTCCAAAGGTCTTAGGTTAAAATATTTTCTATACTGCTGAATCGTTTGGGATGAGATTCCACTGCCCTTCAT  
CTCTTGAAAGGCAGGCAAGGTAGTCATTTAAATTTCTAACAAATATGATTCAATGAGCGTTTTTCTCCTGCTTC  
TTTCACTCAAAGCTGTTTTGTATTATGCTTATGTCTAAAACATCTTGTAATTGAACTTTTGTGTGAAAGTAA  
GTCGTTCAAGTACTTCCCATGTAATATGAATTTATAAAGTTGTGATTGTTTGTGTTTTTCCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1072 DQ336284|Vitis pseudoreticulata RNA recognition motif-containing protein mRNA, complete cds

AAATGGAAAGTAAATATTGCACTCTTTTTCAAAAAAAAAAAAAATCATTTTATCCGAAACCAAAACATAGGG  
CCATTTTTCACGTAAAAGAACTCCTCCACTTCTCTCGTGAACCTTCCGGCCGTCAACCTCCTTCCGATCTCCTGC  
CTCTCTCTTCTCCGGCCAGCATTTCCGCGGACAGCTCACGCGACTCCGCCGAAGAACAACGAAAGGCGGCGGC  
GTTTTACCTAGCTCCTTCTGATTTTCCCGTTCCTGGCGCACCTACGAAGTGACTTCCTCTCCTGAAACCCACGC  
ACGAGCAAAACACTCTAAATTCCTTTCGAACTTAGGCTCTGGTGTTCGGTTTTGTGAAATCGAACACAATCAAA  
GAACTTTTGGGTTCCCTTTTTGGCGTTTGCAGCTGAACTTGATAGTAATTATGTCAGGAAGGTCAAAGGGATG  
CACCATTACGTTGGTAATTTGGATGAAAGAGTAAGTGACAGGGTCTTTACGACATTCTAATCCAAGCTGGA  
CGGGTTGTGGACTTGCACATTCTCGAGACAAGGAATCTGGCAAACCTAAGGGTTTTGCTTTTGCAGAATATG  
AAAGTGAGGAGATTGCCAACTATGCTGTAAAGCTTTTCTCTGGTCTTGTGAATCTTCATAAACGTACCTTGAAG  
TTTGAGTATCTGGGCAAGACAAACCTTACCTGTTAGCAATGCAATCACTTCATCATCAAGGTTTCCAACATA  
TCCCGAGAACCATCTTGAAGCTCTTCTTAACCCTGGTTTAGTTAACCAATTTAATGGGTATGGATCACATTTGG  
ATAACTACAATAAAGAATACAGTCAGAGGTATTCTGGGACAAATTTGGATAGCTTTAACCAACCTAAATCACG  
CCGCCATGATTTCGAGTTTTCCAGTAGATTATCCTCCTTACTAACTTTTGAATAATGCAGCCAGTGCCGTGGTTA  
ATCTTAATGGTAATATAAGTCTTAGGAAAAGTTGGACCACTTAGATGGTTGTAGAAGGTTTGGAGGAAAATG  
ATACGATATTTGGCTATTTGCTATGGTGCCTGCTAGCTTATGTTATTGAATACGTTGTCATTTTGCAGGATTATG  
TGTTTCATATGATTTGGCTATGTTGTTATAAACTTATAGTTGATACCCTAACTAAGTATTGTAATCTATTTGATTA  
AATATTCACATATTCATGTTTAATG

>trans\_c\_1073 DQ121388|Nicotiana benthamiana PHB2 mRNA, complete cds

TTTGCAATTCAAGATCTTGAGGTGCAATCATTTCTCACCAGAAGAAGAAAATTTGGCCAAATTTAAACTGAAACG  
TTGGGAATCAGAGACAAAATTCAAACAATCTTGAAGTATGAATTTGAACAATGTTAAGGTTCCGAAGTTGCCT  
GGTGGTGGTGCTGCTTCTGCTTTGTTGAAAATTGGGATTATTGGTGGGCTAGGGTTATATGCAGCTTCCAATA  
GTCTCTACAATGTTGAAGGAGGGCATCGGGCCATTGTGTTTAATCGTCTGGTTGGAATTAAGATAAGGTTTA  
TCCTGAAGGAACACATCTCATAATCCCTTGGTTTGAGAGGCCAATCATATATGATGTTCTGTCACGACCAAATC  
TAGTTGAGAGTAGTTCTGGGAGCCGAGACCTCCAGATGGTTAAAATTGGTCTTCGAGTTCTCACACGTCCCTT  
ACCAAATGAGTTACCTACCTTGATAGAACTCTCGGGGAAAATTATAATGAAAGGGTTCTGCCTTCAATTATTC  
ATGAAACTCTAAAATCTGTAGTCGCTCAGTATAATGCCAGCCAACCTTCTACGCAAAGAGAGGGCTGTAAGTAG  
AGAAATCCGAAAGACTTTGACTGAGAGAGCAGCCAGTTCAATATTGCTCTTGATGATGTGTCCATAACAAGT  
TTAACTTTTGGGAAGGAGTTTACAGCTGCAATCGAAGCCAAACAAGTGGCTGCCAAGAAGCCGAAAGAGCC  
AAATTTGTTGTCGAGAAGGCTGAACAGGACAAGAGAAGTGCTATAATTAGAGCACAGGGAGAAGCCAAGAG  
TGGGCAGCTGATAGGGCAAGCTGTTGCCAATAACCCTGCATTTATGACATTGAGGAAGATTGAAGCGGCAAG  
AGAAATTGCACATACTATTGCAAACCTCAGCTAACAAAGTTTTCTGAATTCAGATGATCTGTTGCTGAACCTTC  
AAGAGATGAATTTGGAGTTCAGTGGAAGAAGTAAGATTATTTCAACTCTTCAAACCTAGAAAAGCCATTTTG  
TCTGGTTTCTTTGATTAATTAGTGAATGTTGGGGCATTACGTGGAAGACTGGTTAGTGTGTTGTAACAAAATA  
TGAATGGTTTACTATCCATCTCTTATCCAACAACCTTGAGCCGAGCCTGAGCCTGGCTGCTTTAGATGGCTGCCA  
ATTCTCATCTACCTGAGGAGATAGTTTTTTCGTTAT

>trans\_c\_1074 NM\_001186675|Oryza sativa Japonica Group Os03g0704700 (Os03g0704700)  
mRNA, complete cds

TTGAAGAGCAAATTTTGGGGTCGGTCCATTACAGCTTGATCCTGTTGGTCTCTTGACATTAGAATTTGATGATGG  
AGAAGTCTATCAATGGAGTAAGGTGACAACGTCAATTTACAACCTGATACTGGGAAAACGTACTGTGATCAT  
TATGGTACAATGCGCATACAGGGAAATCGTGAATATTCATGCGAACTAAAATTCAAGGAGCAGTCTATTATTG

ACAGGAATCCGCACCAGGTACAGGGTATAGTTCAAGATAGATCTGGAAAGACAGTGGCTACATTATTTGGAA  
ATGGGATGAAAGTATTCATTATATGAATGGGGACTGTTCCCATAGAGGAAAAGGATTGGATTCTTTATCTGAA  
TCCCACCTACTCTGGAAACGAAGCAAGCCACCAAAATTTTCTACTAGATATAACTTCACGCGCTTTGCTATAAC  
TTTGAATGAGCTGACACCAGGCTTGAAGGAAAAGTTGCCTCCTACAGATTCGAGGCTCAGACCTGATCAAAG  
GTATTTAGAAAATGGAGAGTATGAAATGGCCAACTCAGAAAAGTTGCGATTGGAGCAACGCCAACGTCAGGC  
TAGGAAGATGCAAGAAAGAGGGTGGAAACCAAGGTGGTTTGCCAAAGATAAGGGAAGTGATACCTATCGTT  
ACGTTGGTGGGTACTGGGAAGCCAGAGAGCAGGGGAAATGGGACTCATGCCCTGATATATTCGGTCAGATCC  
CGACTGATCCCCAACTCGAGTGAGTTGAACAGTTTTTAATTTTTGTTGTTTTTTTTCTTTCTTTTCTTTTTT  
AAATTCTTTTTTACATATTTTTACCGGATGAGTAGCCAATATAGCTTGCTCATTTGAGTGGTTTATATAGTATA  
GCAACTGCCACTCTCATCGTGGTTGCAAAGTATAAATTAGATTGAAAATGCTGGCCAGTAAAAAATGACATCA  
GAAAAAGAAAAAGAACAAAAAAGAGTGAAAAACAGACATAGTTTCTCAAACCAATCTGG  
CCGGCATTTTCATGTGTTTTCTTTTAGATAAATTTTCTTGTATTAGGTTGAAACATCTCTTTCACAGCCAAGTG  
TAATGAAAGCATTGTAGAAATATATACATAATCCTAAAAATGACTATAATCATCATCTTGCTGATTCTCCCGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1075 NM\_001185851 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0122500 (Os02g0122500)  
mRNA, complete cds

AGAATGGGACAGATCCCTTTGTCCTGATAATTCTAGAATCAAATAGAAATAGACAAATCTGTATGGTGAATG  
CTTACCGAACATATCTGATGCCATTGGTTTTGAAGTTCAGGAGAGGAAAGAGTTGATCAAAGGGTCCCTTCAG  
AGATAGGCACTTCAATGCTGGTTCATATTATTAGGATTCGGAGTTTTGGAAGCGATTGGTGGAGGCGTAAAT  
ACCTGGTTTAGAACAGGAAAGCTTTCCCTGGCCCTCATTTGTTGCGAGGAGCAGGGATTACCGTTCTCTGGG  
CTCTGGCAGCTGCTCTTGACCTGCAATGCAGAAGGGAAATGAGACAGCTAGAAACCTTCACATTGCGCTGAA  
TGCATTGAATGTCATACTTTTATATGGCAGATTCCTCACTGGAATTGACATTGTCTTCAAAGTTTTGAATTCAC  
AAAATGGCCTTGATTAAATGATACTTCTATGTAACTTCTCCCTTTTCTTATGGTCTGGGGTCTCTCTCTGTC  
TTAAGTCTGTACATGTCTGGACCTTTTCTTCCAACCTTCCCATCTTCCAATTCTTGCCTCTGCAATTCTTCTCCC  
TTCAGGTATGACTTGTTACTCAAGAACTTGAAGTCGATAAGAATTACGTTTCAATCTATGCCATTTTTAACCAT  
CTCCCGGTATAGCTCTATGTTTCAACTTGTTCATTTTAAAGTCTGCAGTCTCACTAATACAGAGAAATACTGCA  
GATTCAAGTACCATGAACTTCAAACCTGACGTGAGACTATGTTTGTATCGTCATCCCAACTCAAATCAACCACTT  
GGCCTGCCAAACTAAATAAGGACCAGCCCCAACCTGCAGTCGGTTGGCGCAATCGAGCTACCACACAGAA  
GAAAGTGCTGTCTAGGGAACAGAAGTATCTCCTTCTCCCTCACTTTATCAACGAACAATGTTTATTAGATTCT  
AGAAGGAAGTCTGTCCAGTAGAGTCACTGTGATTTCTTCATGTTTACATATTTCAAAGGTAATGATGTTAGC  
AATGGTAGTAACATCCAAAGAGGATGCTTTCCCTTCCCTGTTTTTACCCTTTTCTTCATATAGTATTTGTGTAA  
TTGTTATTCAAAGAAGCATTCAAGTTTTCTGTCTTTTACTATGATTGCTTTCTGTTTCCCTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1076 XM\_002884769 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* hydrolase, alpha/beta fold family  
protein, mRNA

TATCTCAGACTCGAACTCCAATGTCGACATCTGATCCATCATCTCTGCCAATAACTTCAATTCCTCATCAAACCA  
AGAAGATTGGTCTTCTATGATTCTTGCATGGCTTTGGAGCTTCTGTTTTCTCATGGAATTTGGTGATGAAG  
CCTTTAGCTGATATCACTGGTTCCAAAGTCTGGCATTGATCGACCAGCCTTTGGATTGACATCAAGAGTGGA  
TTATTCGGGGAATTCTTCTGCTGGTACAAAGGATAGAAAACCTCTAAATCCATACAGCATGGCGTTTTTCAGTCC  
TCGCTACTCTTTATTCATCGGTTTCTTAGGAGCTGAAAAGGCAATATTAGTTGGGCACTCAGCAGGTTGCTT  
GTAGCAGTAAATTCATATTTCCAAGATCCACAAAGTGTTGCTGCTTAATCCTTGTTGCCCGAGCAATTGTAGCT  
CCTTTAGGAGGTAGATTGCCCCGGGACAACCCGGTCCAAGAGAATGTCTCCGATTTAAATGTTGTAGGGAATC

CAGTAATTCAGCTGTCCAACATTCTGTCAGCGGCGGCTAAGTTCATCGTGCAGTCAATAATGCAGATGATGAA  
AAGAATTCCTGAATTTGTTGATTTCTTGACATAAAAGTTCTGTCAGCTTTTCTTCGTTCAACCTTGATTCTAACG  
TTGGTACGGATGATTATAGATAAAGCTGGTATTGTTGCTATCAAGAAAGCTTGGTACGATGCTGCTCGAGTAA  
ATGAGCATGTTTTACATGGCTATACAAAGCCATTGAGGACAAAAAACTGGGACAAGGCACTTGTGGAATTTG  
GTGCAGCCATGCTTACGGATAGGGCTTCCCCACCACTTTCGAGAAGACTTCATGAAATTCCTGTCCTGTTCTT  
ATCATCTACTGGCGATAGCGACAACCTCGTGCCTTCTTGAATGCTGTGAAACTTTCTGAAGCCATACCAGGATC  
TCATTTGGAGGTGATCAAACATTGTGGTCACCTACCTCATGAAGAAAAGGTAGACGAGTTTGTATCAATTGTT  
CAGAAGTTCTTATACAGAACTTTTGTTGATTCACATGAACAGTGATTTAAACAATTCCAAGGCCTCCATATTATT  
ATTAGATTTGTTCAAACTTGGGAGTTTTTAAGCATTTAATTTGAGAAAATTTGCTTCTTGATCTAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1077 NM\_001055023 | *Oryza sativa Japonica Group* Os02g0814000 (Os02g0814000)  
mRNA, complete cds

ACACTTCACATTTCTTCTTCTTCAATCTGTTGAAGCTTTCTCTCTCTCTATGTTGCACACCTAAATTGGCCA  
TTTGGGTTTATTGAAAACCTTCTGTCCCTTGAAAATTTCTTAGGCAAGATGACTGAGGAGGAGTCTCACAGG  
GTTGTATTGAATTTATACGACCTTAGCTGCGGATTGGCTCGACAGTTCTCCACAGCATTGATGGGGAAAGCCA  
TTGAAGGCATATGGCACACTGGGATTGTAGTGTATGACAATGAATACTATTATGGTAGTGGAATCTATCACAG  
TCTTTCTGGAAATACACCTTTTGGAAACCAATCCATGTCATTGATTTGGGCATTACGCATGTCCCAAAGATG  
TGTTTGAACTTATTTGACTGAAATCAGCCCGCTTATACAGCTGAGACTTACAGCTTGTTGGCTCATAATTGC  
AACAATTTAGTAATGAGGTTGCTCAGTTTTTGGTTGGCTCGACCATCCCAGAGTATATTCTTCAGCTTCCCAA  
CGAAGTTAGAAGTAGTCCCATGGGCAGACTCATGCTTCCGATGATTCAGAACCTCGAAACAACATTAAATCT  
GGTTCAGTTCCAAAAGTTCCACATATTAGCCATCATCAACCCACGACAACATCAGCTCCGATATCAGCCTTGGA  
TTCTAATGTTGAAGAATCACCAGACTCTGATGTCGAACCGTCTGGTGGCGATAGTAGCAATGTAATAAGCG  
CAGTCTGCCAAGCAAAACGCGTCCGAGGATTGACACATCTGTCAATAGAGCCTGCTGCAGGGGTAGGGCAG  
CAGAAGTTCCTGGGAAGACAATTGATGGAAGTTTGGTCAACAATGCTCGTGTGATGATAGAAGACAGGATT  
AAAGGTGAATTTGCATCGATCATGGCGACCGGGAAGCATCGTGCAAGTGAAGCTGCTGCACTTGACGCCAAG  
AGAGTGATGAGCAAATGTAATAGACATATAAGTGCTGCAGCTTCACAGCACTAGAAGGTGTCATGCATCCTTC  
TTCCTCCAATGCGGTTTTCTAAGATAGTTCTAGAATACAAGTAGTTAATAGCTTTGCTTCATGTACGGTTGGGG  
AATACTCTTGAGATAACTGTTTCATCTGCTGAGATAACATAGTAAGTTTATATAATATCAACTTTTTTTCTAGTTA  
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1078 U80269 | *Malus domestica* translation initiation factor 2 beta (eIF-2beta) mRNA,  
partial cds

ATCTTCTCTTATTCTTCGCGATCTCTGCTCTCGTGACTCACTGACTCGTCTCTTCCAGTCTTCTCTTTGCCGT  
CGACTACCCCTCAGCTCAAAGTTCGTCTTTCCGCCGGCGACGGAACCATGGCGGACGAAGTTCAGAATGATGT  
GACCGATCAGGTGGCAGATATTGCCCCCTTTGATCCAATAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGTTGTACTTCA  
GGATCCTACTGATGAGATTGTTGACAAGTTAGCAGAGAAAAGTGAAGTTTGTGAGTTTCTGATGGTTTGGAG  
ACTACAACATTTTCTGGACTTAAAAAGAAGAAGAAAAAACAGTAGAGGCGAGCTCCTTGAATGAAGATAGT  
GCAGATGCTACGGAAGATTTGGAAGATCAAGCGGGGGAAATTGAAGATCGTGAGGGAATTGTTCTACAGTAT  
CGTTATCCTTGGGAGGGAAGTATGATCGCGATTATGAATACGAGGAGCTTCTTGGACGGGTATTTAACATTCTTA  
GAGAGAATAATCCAGAGCTTGCAAGTGATAAGCGTAGAACAGTTATGAGGCCTCCTCAAGTTCTTCGTGAAG  
GCACAAAGAAAAGTGTGTTTGTAAATTTTCATGGATCTATGTAAGACGATGCATCGGCAGCCAGACCATGTTAT  
GGCTTTCTTACTAGCTGAACTGGGAACCAAGTGGCTCTCTTATGAGCAGCAGAGACTAGTTGTTAAAGGAAG  
GTTTGCACCAAGAACTTTGAAGGAATTCTGCGTCGATATGTCAATGAATATGTGATTTGCATTGGGTGCAAG

AGTCCAGATACTATCCTTTCAAAGGAGAACCGGCTTTTCTTCTCAGATGCGAGAAGTGTGGTTCTGGACGGT  
CAGTTGCTCCAATTAAGCTGGGTTTGTGCGACGTGTTGGCCGGAGGAACACTGGGACATGATATGTGCTTGT  
TCCTTTATATTGAAGCTCGATGTTTTGAGTAGTAATAATCTCGTGTTAAACTTTATGACCACAAGTGAATTTG  
AAGTGAATGCTATATTGTAGTTGGGAGTCTAGAATTTAAGATAATGAGGAGCTATGAGAATTGAGGTCTCTTT  
ATTTTCTCTATATCCACGTGGCATGCTAGTTGCTCATACTGAGCCTTCTGATATTCCACTTCTTTTTCCCCCTC  
CGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1079 XM\_002886193|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata S-locus lectin protein kinase family  
protein, mRNA

ATTGGTGGCTTTTGAATATAGAGATTGCTAAATGCAACAAAGAACTTTTACATAAACTTGGAGGAGGAGGG  
TTTGGTTCTGTCTTTAAAGGGTCTTTGTCCGATTCCACGATCGTGGCGGTGAAGAACTCGAGAGTGCTAGCC  
AAGGAGAGAAGCAATTCAGGACAGAAGTCAGCACAAATTGGGACAATACAACATGTTAACTTGATTCGACTTC  
GAGGATTTTGTCCGAAGGTAGTAAAAAATTGTTGGTCTATGATTACATGCCAAATGGTTCATTAGATTCTCAT  
ATTTTCCACAACCAGAATCCTAATAATGTCTTGGAATGGAAAACAAGATACCAAATTGCTCTTGGGACTGCAA  
GAGGGTTGGCTTATCTTCACGAGAAGTGTGCGTGAATGCATCGTACACTGCGACATCAAGCCCGAAAACATACT  
TTTGATGATCAATTTTGTCTAAAGTAGCTGACTTTGGCTTGGCCAACTCTTGGACGAGAGTTTCAGCAGA  
GTCCTAACCAACCATGAGAGGCACACGAGGCTATCTAGCGCCGGAGTGGATTTCAGGGGTTGCAATAACAGCA  
AAAGCTGATGTTTTAGTTACGGGATGATGCTTTTCGAGTTCGTATCGGGAAGACGAACTCAGAGCAATCTG  
AAGATGGAAACAATCAAATTTTTCCAAGTGTGGTTGGAAAAGTAATAACCGAAGAAGGTGATATCCTTGTTTT  
GTTGGACCCGAACTACAAGGAAATGCTGATGTAAAAGAGGTAACAAAGATTTGTAGAGTAGCCTGTTGGTG  
CATCCAAGATGAAGAAAGTCAAAGACCATCAATGAGTAATATTGTCAAATTCTGAAGGTGTTTTGGAAGTT  
AACAAACCGCCATTGCCAAGATCTCTACTTGCCTTAGCGACAGCCAAGAGCATCTAGTCTTCTCACTGAATC  
CTCATCCTCATCCTCTTCAAACCAAATTCGAAGACGAACTCATCGACTCCGTCATCTCAGACCAAAGCAGCA  
CATCTACAACAACTCCTAGGCTTGAAGATTTTTGCTGAATTCCAAGACTTGTCTCTTTTCATCCAATTCAGT  
ATATATTCTCTTTGCTCTAAAATAAAAGGCCAACTTTATTAATCTTCATTGCACTTTCTCTACAATATCCATG  
TAATAAATGTTCTAAAGTTTCCTTTTAGGA

>trans\_c\_1080 AY324112|Brassica napus adenine phosphoribosyltransferase mRNA, partial cds

AGAGCCGGCGATGAAAGCAGTCTTCAATCTCACTTCCTCACTTCCTCTTTCCCCCTCACCTCCCACTACTACAG  
GACCACCGCATCTTCACTCCTTCTCCTGATCTGTTTGCTTCTCCCTCAACAGCCGTCGGCGGCGCTTTCTCGTC  
TTGTCGTACACATTTCTTGACTCACTTCCACAGCATCCATCTTCTTCTCGCCTCTGCGATGCAATGTGAGGAA  
GACGGTGCCGGATCAAGAAATGGCGTCCACCGATAAACAAGACCCACGCATACCCAAAATCTCCAAGGCCAT  
TCGAGTTATCCCGGATTTTCTAAACCAGGGATTTTGTTCAGGATATTACAACTTTGCTTCTTGATACAAAGGC  
CTTTAAGGACACTATCGATTTGTTGCTGGAGAGGTACAGAGGGAAGGATATCTCTGTCGTCGCTGGAATTGAG  
GCGAGGGGTTTTCATTTTGGCCCTCCGATAGCTCTGGCTATTGGTGCAAAATTCGTGCCCATGAGAAAACCCA  
AGAAGTTGCCCGGTGAAGTCATTTCAGAAGAGTACTCTTLAGAGTATGGAAGTGAATAAATTGAGATGCATGT  
GGGAGCTGTTGAAGCTGGAGAACGTGCTCTTGATAGATGATCTCATTGCAACTGGGGGAACCTTGTTGTC  
AGCTATAAGTCTACTTGAGCGAGTTGGCGTTGAGGTGGTTCGAGTGTGCATGTGTGATCGAGCTGGATGGATT  
AAAGGGCCGTGAACGATTGGGAGACAAACCTCTATTTGTTCTAGTTAATGCAGCGGGATGATCATATGCAATA  
TGTCGTGTTTGGAATGGTGGTACTAAGATTGTATGGCTGCTGGAAGTTGAAGTTTCAAAGTACTCCATAATT  
TTGAAGCGGAGAGTCTGGCTAGAAATAAAAGGGTTGGTATTGTTTTGAGAGTTGAAGAGGTTAAACAAAAGA  
AGAAGAAAAAAGATCCGTAGAGACCGTATTTAGCTTTTGTTAATCTGGTGGTAATATATTTGTTGTTTGTTA  
ATTGGTCTGCTATCTCTTTCTGCCTACCTGTTGAAGATTGGAAGGTGAGAGAGAAGTGGTTCACGTTAATTT

TGAATATCTGCTGAAACTTCTTTAGTTTGCAGTTGAGTAGTTTTCATCGAATAAAAATGCCTATTCTCACCCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1081 NM\_001065473|Oryza sativa Japonica Group Os07g0160300 (Os07g0160300)  
mRNA, complete cds

AATAAAATGAAGTATAAGGAAAAGTTGATAAGAAAAAGTGTTTTGGAAGTCCATAGTTTGTCTGCTCGCTTAG  
GTTGATTTTTTCAGTGGCGCGAATCAGTAGAGATTAGAGTGCTTTTTGTGAGAAAGAGGATCGTACTGGATGG  
CTTTATCTGCAATAAAATCAGGGGCGTTGGTTTCACTGAAAGACTTGATGAAGCCATCTTCTGAGTTCTTCAAG  
GATGGGGGCTTCGCTTAGAGTTACTGGAAAAGTAAAAGTTATCTAAATGGAAAAACATTTTATGCTTTCTACAAC  
TTTCATATGGGCCATAAAATTTGGGCTTAAACTTTATTGGTGAATTGATTCTTGGTAGATTTTGCTTGAATTT  
GTTTTCCATAACTGTCTGTTTGAAATTTGGGCTGCCTTTATTTTCTTAGCAATGGAATGATCCACTTAAATTTTCT  
CCTCTGGATGTTCACTATTTTCTTAAACTAAAAGCCACCAGCAAACTATTTCACTGCAGCCTATTAGTTAGTTT  
GTTGCGGATTTGTATGTAGTTATTATCTTAAGTTTTCACTTAGGTGGCATAATTATATCCTTCACATTTGTTTTT  
TAATAGCACTATTCAATGTAGAACTTTTTGACTGTAGCAATCTTATCGGATGTTGAAGGGGATAGATTTCCCTTG  
GCTGTTGTGAGTGTTCAATTGTCTTATATGCATCAAACAGAAACCAGATATTTAAAATCCGTAGCTAAAGCTCAG  
ACCTACCATTTAATTGAAATCTTGAATAAACTTTGAAACATAATCTGATGGTGTATCACATAATTCTCCTCTTA  
CTTAATGTGACAACAGATTATCCGTTGATTACTTTTAATAATGGAGGCTAATCTTTATGTATATGCAACTGTTCT  
CTTGATTTATTGCTATGACGTAGATGACTGAAATACTTTTGAATCTATGAACTGTTTCCTCAACTCTTTTTGTGA  
CAATGAAAATATTTAACATCTGTTCTTCAAGACAGATTAGTGGAGTATTCTGTAGAGACGGCCATTGCCATAAT  
TGTGGATGGAAATGTTAACTTGAAGATCGACACACAGCATCTAAGAGAGCTTAGCATTGCGATTGGTTCCATA  
TATCAATTTATTGGTGAATACTTGTTCAGTCAGATAATGAGGCAATTTTGCANGCACGTGTTGGCAGGAAAT  
GTTGATGGCATTGA

>trans\_c\_1082 XM\_002878111|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S2, mRNA

TCCAACGCCTCACATTCCTTCCTTTCTCCCTTTACCTGAACATGGCGGAGCGCGGCGGATTTGGACGAGG  
GTTTGCGCGCAGAGGCCGTGGCGGAGGTGACCGCGGACGTGGAGGTCGCCGCCGAGCAGGTCGACGAGAC  
GAAGAAGAGAAATGGGTCCAGTCACTAAGCTAGGGCGCCTCGTGAAAGAGGGAAGGATCCAATCTTTGGA  
GCAGATCTATCTCATTCTCTCCCATTAAGGAACACCAGATCGTTGATACCCTTATTGGTCCTAGCCTCAAGG  
ACGAGGTTATGAAGATTATGCCAGTCCAGAAGCAGACTCGTGCCGGACAGAGGACTCGTTCCAAGGCGTTTCG  
TTGTCGTCGGCGATGGTAATGGCCATGTGGGTTTGGGAGTTAAGTGTAGTAAAGAAGTTGCTACAGCGATT  
GCGGTTTCGATTATTTTGGCTAAGTTGTCTGTGATTCCCGTGAGAAGAGGGTATTGGGGTAACAAGATTGGTAA  
GCCCCATACGGTGCCGTGTAAAGTTACCGGAAAATGTGGGTCTGTTACCGTCCGGATGGTTCCGGCGCCGCG  
AGGGGCTGGAATTGTGGCGGCTAGAGTGCCCAAGAAGGTCTTGCAAGTTCGCTGGGATTGAGGATGTGTTTAC  
ATCTTCTAGAGGATCGACCAAACTCTCGGAACTTTGTTAAGGCAACATTTGACTGTCTTCTGAAAACATACG  
GCTTCTTAACACCTGAATTTTGGAGGGAGACACGCTTCACAAAATCCCCATTCCAAGAACACACAGATTGTTG  
GCGAAACCCACGGTGAAGGCATTGTTGTTGGAAGATCCCGACAGGGTACTGCTTGAAGTTGGTTAATATCTT  
CTTCCTTCTCTGCTTCAATTATGGGAATATGTTGATGGTTTCTTATATGACAAAGGTCCCATACCATTTATTCTC  
TGGTTGAGCTCTGTTACTTCAAAGGACATTAGTTTTTTTTCCCTTCTATTTTTCACAAATTTGAATTTTACTGT  
AATTTATTTACCACCTTTTGAAGGCGAGTAGGTTTTTTTTTACTATTTTGTGTTTACTTGTTGTTACGGTCTTC  
GCAGGAATTTCTTTTGTGCCCATATGGTTTTGTGAGTTTTGGTTGCCAACAACTGAGATTACATAAATGATG  
TGGTTGAAATTAGGAAGGGGAAAAAAAA

>trans\_c\_1083 NM\_001186259|Oryza sativa Japonica Group Os02g0804150 (Os02g0804150)  
mRNA, partial cds

TCAACAATTACTCCCAAATTAACCCCTAAATTGATCAAAATTTCCAAACTCGTCGCGCGCACCTTCCCAATTT  
TTCCTTCAATTTCTTCGCATGTGTCGTCTATTGTGAACTCGTCGGCTGTCGCTCCGTCTTCCGAACGTCGTTCTG  
TCGTCGAGCGTTGTTCTTTCTTCTCAGATTGGTCAAGGTCGCTCCGTCGCCATCGTTCCGAGACGATAAGGTA  
AGGTTTCATGGATCTTCAGCTCGTGCCGATAAGGTGAGAGGCCAGACACCAAAGGTTGCTAAACAAGACAAGA  
AGAAGAAGCCACGAGGACATGCTCACAAACGGATGCAATACAACCGTAGATTTCGTAAGTCCCGGAGGAGGG  
TTCAAATGAAGTTGATTTTGATCGAGTTAAAATGTAGAAGAAAACTCGAGTTAACAACAAGGAGAGTACAAC  
AACGATGACGTTCAACAAGTCGTCCATAAAATAAATGAGATCTCAACGAATACAAATTCATTATCTGTGAATG  
GACACTATTCGAATGATGTGTTAACCCAAGCATTGAGTATAAAAGAGCACAATAATTGTGTGCGTGGGGTTTG  
AGGATATGTTATTCCGACAACGTACTTTTATTAAATTAAGAAAACATCAAAGTTGAGGCGAACATTCTACTTG  
AGAATGAAGAACTTGAAGGCGAGTTAGTTAATTAGAGGCACAAATCACTTAACTTGTCTACACCATTCTCT  
ACACACGGGAGTTGTTTAAGGCCAATAACATGAACGAAGTCAAACATTTACATTGGTGGCCTATATGATAAA  
ATGTGCAGTTTGTCTTTGTACATTTGTCTCTCATCTCTTTTGAAACACACAAGAATCTCGAAGTCGAACTTGT  
GTAGTAAATTGATAGTGTCAAAGGCAAACCAAGTAGTTCTTGCTCCTTTAATCTTGGATTGATACACGAAAAC  
CATACTCAGGTCGAGTTAGATGAGGGGGGGTAGAGTTGGCTGATTTTTGGGTATGTACATATGATTGTAAC  
TTATTTGTGATTCTGAAGATGGAACTTTTTGTTGTGGCTGATTTTTGAATTGTTCATATAGAAGGGTATATTT  
TTTAGACTTTGTTGTGGTAGATATTTCCAACTTTGTTGATAAGTGAATTGTTGATAAGAGTTGAATTGTTCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1084 AF105221|Glycine max glutamyl-tRNA reductase precursor (gtr1) gene, complete  
cds

AGAATTGGCCTTGATGAAGCTTCCTGAACCTTCACATGCCACAGCCAGAATGTTGGTGATTGGAGCTGGTAAG  
ATGGGAAAGCTTGTAATCAAACATTTGGTTGCTAAAGGCTGCACAAAGATGGTTGTTGTGAATCGATCTGAAG  
AGAGAGTCACAGCCATCCGTGAGGAGATCAAGGACGTCGAGATAATCTACAAGCCCCTCACGGAAATGCTTA  
GCTGTACAGCTGAAGCAGACGTGATATTTACCAGCACTGCTTCTGAAAGTCTTTGTTTACAAAGGAGCAGGT  
TAAGGATCTTCCCCCTGTTGGTCATGATGTCGGGGGCTTGAGGCTTTTCATCGACATCTCTGTTCTCGAAATG  
TTGGAGCATGTATCAACAATCTTGAAGATGTACGAGTGTACAATGTTGACGACCCTAAGGAGGTAGTTGCTGC  
AAACAAGGAAGATAGGCTCCGAAAAGCGATGGAAGCACAATCAATTATCACCGAAGAATCCAAGCAATTTGA  
AGCTTGAGGGGATTCAATGGAGACTGTTCCAACAATCAAGAACTAAGGGCTTATGCCGAAAGAATCAGAAC  
TGCCGAGTTAGAAAAATGTCTATCAAAGATGGGTGATGATGTCCCCAAGAAGACTCGACGAGCTGTGGATGA  
TCTTAGTCGTGGTATAGTTAACAAGCTGCTTCATGGTCCCATGCAGCATTGAGATGCGACGGGAGTGACAGC  
CGAACTTTAAGCGAAACCTTGAGAACATGCACGCTCTAAATAGAATGTTGAGCTTGGAACAGAAATCTCAG  
TGTTGGAACAGAAATCAGAGCTAAAGTGGAACAAAACCAGAAAGTAAGCAGTAGTAATATTATATGAACTC  
TCATTCACCTCCCTTTGCTTTTACTTCCACAGTTGAAATAAGGGGAAACTCCTCACCTCAGTTCATCGTGATC  
TCGAATCCCGTAATTAATCTTCATTAATCCCTATGTGGGAACCTTTCTTTTGATGATTTGTGTATTGACAATGGT  
GAAACCTGGTCTGTCATACCTCTGTGTTGGCTTGTTCTTGTGCACTTGTGAGGTAATCTTGTACCAAGTTTGTA  
ATCTGTATCTGAAATTTGGTTAATTTTTGTAATTAAGATACTGATTTTCAATATATAGAGATAATCCTTATTCTTC  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1085 XM\_002885931|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

AACCCATAATCTTCCTTCCATTTCTCATACAGATTCCCATATGGAAGTCGTTGTTGCTCCAGTCCCTCCTCCCGG  
TGCCGACATCTTCAACTTTGGTAGCCCTTGCTCCTCCATTATCTTTCTGCTCCTTCTACTCCCTTCTCCTCCCTCA  
GTGCTCCACAAGCCCCACTTCGCTCGGCTTCAACTTCTCCGCCTCGACAACGATGTCGACGTTCCAATCGGC  
TCTCCCTCTGCCGTCCCTTCCACTGGGAGGAGAAGCCCGGCATCCCCAAGTCCCCCGACAATTGCGCCTCCGG  
TGACGATCATGATTTGAATTTATTGTTCCCGCCACTCCTTCTCTAAACCTTCCATCTCCGCCGATGAGCTC



TTCCATGCCGGCAAGATCAAGCCGCCCAAACCGCCGCCCGGATTCAGTCGAACATGTCGTCGCCAAGATCGC  
CGCACAACTGAGGCTATCGCCTCGTAAAAGCAAAAGCAACATCGACACGAAGAACATCAACGACGACCCAT  
TTGAAGCAGCACTAATCAAAGAACTCATTGCCATAGGATCAATTACGAGCTCATTGATTCAAATGACAACAA  
CGAAATTATTAGAGGAAGAAGACAGACAAAATTCATACATTCCTCTAATTTTTCTCGCAAACAACTCGATCTC  
TTTCCCCTTCAGACTCTCCTCTGAATCCGCACTCCACGGAGATGGCGCCAGAAAATCAAAGCGTCGTCCTTTT  
TTGTCGGCGATTTCGTTTTCAAAGACCAATAAGAAAGGGAGGCTTAGAGATTTGTTGTTTCGCAGTGCGTCGG  
AAGGTCGGGCGACGGAAAAAGCCGAGAAGCTGAGGTCTACATACGGTGTAATGTCGGAAAAATTGGATGAC  
GATGTGAAGATTTCAAGTTCCGGTCAGAGGATAGTGGCGGTCCAGAATGCGCTAGACGGCGGCGAACC  
GGCGGGTTCTGAGGAGTTGAAGAAGAAGAGTTTTTTGCCGAATAAACCGGGATTCTTGGGCCGCTGCTTGCG  
GATTAACCGGACCGGTATACAGGAGATTTCTAGAGGAATTGGGTCATTGACACGTGGATGAACCGGCAAGAT  
TTTTAATTTGATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTAGCTCGGATTGATCAATGTAAGGAGTGATGTTCTTGTCGGTG  
TTTGAAACATAAATAAATTCATG

>trans\_c\_1086 FJ750460|Artemisia annua 2-alkenal reductase (Dbr1) mRNA, complete cds

TCGGTGATTGAGAATTTCCCACTAACCTTTCTTTATACGTCTCTAATGCCACGTTCCCTTCTCTCTTTAGT  
TAATCACCTTTACTACCTGTACCTCACACCATAAAAAGTTTCCTTTCTGTATGAACTATTGGAAGCAGCTAAT  
GGGGTGCTTAAACCATTAGGAAAAGTGAAGTCAAGTACCTTTTTCAAAGCTTAATTTCAAATGGGGTTCTTTC  
AAATTCATGAAGTTTCTTCTCCTCCCAATACCCAATACCCTTTATATTCCAATCTAACAATAAAAAACGAGAAA  
ACCAGAAAAGAAAAAAAACCCCATCTTCCATTTCTTCTTATTCTTTTACGATCATGCAGAGCCACGGCGGC  
GACGGCGAAGTAATCAACAAACAAGTAATTTAAAAGACTATGTCACCGACGGCGCTTCCCCCAAAGAATCGG  
ATCTTGAAGTGATCGCCAACAGAACCATTAACTGAAGGTTCCGAATGGCTCACATGGAGTTCCTTCTTAAGAA  
TCTCTACCTTTCCTGCGATCCCTATATGCTTGCTTGATGAACAAGTTCGAAAATGCCTCCATTGATATTGCTTC  
CTTCACTCCCGGTTGCGCTATTAGGGGATATGGAGTTGGGAAAAGTTTGGATTCCGATCATCCGAAGTTTAAG  
AGAGGAGATTTGTATGGGGGAAGACAGGTTGGGAAGAGTATTCTATACTTTCAACCTCAGAAGCTGAAGCT  
CTATTTAAAATTGATCACACCGATGTTCTCTTCTTATTACACAGGAATTCTTGGGGTGAATGGGATGACTGC  
TTACGCTGGTTTCTTCGAGATTTGTTGTCCTAAAAAAGGAGAATATGTGTTCTGCTCAGCTGCATCTGGTGCA  
TTGGCCAACCTGTTGGCCAATTTGCCAAGTTAATGGGATGTTATGTTGTTGGTTGTGCTGGTAGCAAACAAAA  
GGTTGATTTGCTGAAGAACAACCTCGGGTTGATGAGGTTTTTAATACTACAAAGAAGAGCCAACTTGGAAGCT  
ACTCTAACAAGATGCTTCCCTGAAGGAATAGACATTTATTTGACAATGTTGGAGGGAAGATGTTGGATGCTG  
CTCTTGGAATATGAGGAGGAATGGTCGATTGCTTTGTGTGGGATGGTATCTGAGTTCCAAAAGACAAACC  
TGAAGGTGTTTATAATTTGA

>trans\_c\_1087 NM\_127274|Arabidopsis thaliana ubiquitin family protein (AT2G17200) mRNA,  
complete cds

GTGGGAATGCTACTAATAATGCGACAGCCAATACATCAACTACTACTTCTGATACGGCTAATGGGTCTCCATCT  
CCAAATACAAATCCACTTCCAAACCCATGGTCCCCTGCTAGCACTGGTGGTACCCAACTAACTCTACAAGGTC  
GAATCCCACTCCAAATGCTAGTGCTCAAGTTCCCACTGGTTTAGCTGGGCTTGGTCTTCCAAATCTTGAGGGCA  
TGTTGGGTGCAACACCAGATGCTGCCGGTTTGAATCAGTTGATGCAAAACCCAGCTATTTACAAATGATGCA  
AAGTGTTATGTCAAACCTCAATATGTAAACCAGATCCTTGGTCTCAACCCTCAATTGCGTGGCTTGCTTGATT  
CAATCCTCAGCTCAGAGAGATGATGCAGGATCCTGAGTTTTACGCCAGCTGACCTCCCCTGATACAATGCAG  
CAAATGTTTACTATGCAGCAACAACCTTCTGTCACAGCTTGGTCGCCAGCCACCTGAACCCAGGTCAGACCG  
GTGGAGGCACAGGAGCTGCGAACAATACGGGGTTGGAAATGTTGATGAACATGTTTGGAGGACTTGGTGCT  
GGTAGTCTAGCCGTGCCAACAGATCCGATGTACCTCCGGAAGAACTGTATTCTACGCAGCTCACACAGCTAC  
AAGAAATGGGATTCATTGACAGACAGGAAAACATACGAGCACTGATTGCCACTGCAGGAAATATCCATGCCG

CAGTTGAACGATTACTGGGGAATTCAGGGCAGTAGTGGATCGATCCCATCGGCCATCGGTAGCAGCAACGCA  
TTTGATGTGGCCCCATCAAGTGCTGACAGCTGAGGTAAGCAACATTGGAGGTGAAATTCAGTCGATTGAGTC  
CAAATTTTGGTATAGGAGCGGCAAAGTCGGGAAAACGGTCACTGAATTATATAAGGTCTCGAAGTCTTTCTC  
AGGTTTCATGGAGTTCCTATAATACACATATTCTCTTTACATGATGACGAGGTGTCATATGAACTGTGTGAAAA  
TATGTTTATTTAGATAATATTTGTTGGTCTGTTCTTTGGTTCTTGCAATTGAGTTGATTGGAGTTGCTCTTTT  
GCTAATATCAATTCCTATGAGTGCACAATGATGCTTCTCACTGTCACTCTTAAGCGCTCTATCAATAGAATACAT  
AGAATTTAATTAATTCTCTTTCTAT

>trans\_c\_1088 XM\_002894524|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata HNH endonuclease domain-  
containing protein, mRNA

ATGAACTTTTCCGTGCGCATGTAATGTTCTTTTCGTCTTCCCCTCAACTACTGGGTTTCAATCTCTTCATCCCATG  
AGCAGTAATCTCGACTTCCATCTCCATTGACTGTTTCGGAGGAGCCAATTCAGTTCTGAAATGGCGCAATTCA  
CTGCACACAGTCGAGTTAAGTTGCTGCTTAACGGAGACGGTTTACCATGCGGTTGAGAATCCAAAGATCGGTT  
CAGATACAAGCTCAGATCAGTACGAGCTCGCAGGTTTCTCTCTGCTCCCTCTTCTCTACATCATCTACTTC  
AGCTTTGAGGAAATCCACTCAGCATGCTGCCGAGGTGCGTGTGGTGTGAGGGACGAGAGCGTTACAGGCG  
GTGACGACGCCATTGTTGGTTTTGACTATGACTACGAGTTTGAGTCTGACGATTTGGCTTGCTTCAGAGGTCTC  
GTCTTGATATTTCTACAGGCCAGTTAATGTTGTTTGGTGGAAACGTGCAATTTGTTTGGAGTTCATGGAAAA  
GGCTGATGTTTTGGAATACTATGACCAGACTGTGAATTCTCCAAGTGGATCCTTCTATATTCCAGCAGTCTTGC  
GGGTTCCCATTTATTGCAAGTTGTTAAGAGGAGAAGAATCAAGAACTCTTGAGTCGTAAAAACATACTTTAT  
CGGGACAATTACACTTGTCAGTATTGTTTATCCACGAGAGTTTGACCATTGACCATGTTTTGCCCATATCCCG  
GGGTGGAGAATGGACGTGGGAAAACCTGGTTGCTGCCTGTGTAAAATGCAATTCAAAGAAAGGCCAAAAGA  
CCGTAGAAGAAGCAAATATGAAGCTGAAAAAACTCCCAAGGCTCCTAAAGATTATGATATACTTGCCATTC  
CTCTAACGAGTACTGCAATAAAGATGTTGAACTGAGAAAGGGAACCTGAAGAATGGCGTCAATATCTGTG  
AAGTGAGCAATGACCATGTATGTACTTTTAAAGTGGTACTTGTAATTATTCTTGCACATATAGCACAAATTC  
ACCTAATACTTGGTCTTCTAAGACTTCTTTATGTAGCACAGCACCTTCTAAATTTAGCATAATCTATTATTTGTT  
ATTATTTGTTCCATAAGCTATGGTGTTACGGTTCGGTAGTGAATCGGTTTCGGTTTTTGAAGACAAAAAAA  
AATATAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1089 AJ583008|Populus tremula x Populus tremuloides partial mRNA for ABC transporter  
(abc1 gene)

AAGCTTCTAAAATTCTTGCTGGACTGGGTTTTACCAAGGATATGCAAGCCCGATCCACCCGTTCAATTTAGTGGT  
GGATGGAGGATGAGAATTTCAATTGGCTCGGGCTCTTTTGTTCAGCCAACACTTCTGTTACTAGATGAACCCAC  
AAATCATCTAGACCTTAGGGCTGTTCTCTGGTTGGAGGAGTACCTTTGTCGGTGGAAGAAAACCTTGTGTTGT  
GTGTCTCATGATCGAGATTTCTCAACAGTGTGCAATGAAATTATTCATCTTCATGACTTTAGGCTTCATTTT  
TATCGAGGCAATTTTGATGATTTTGAAAGTGGGTACGAGCAGCGTCGGAAAGAAATGAACAAGAAGTTTGAG  
ATATATGATAAGCAGGTTAAAGCAGCTAAAAGATCTGGAAGTAGGGCGCAACAGGAGAAGGTGAAAGACAG  
AGCAAAATTTGCTGCTGCTAAGGAAGCCTCAAAGAACAAGTCCAAGGGAAAGGTTGACGAGGATGAGCCCCT  
GCCAGAGGCCCTAGAAAGTGAGAGATTACAGTGGAGAATTCCATTTCCCTGAACCCACCAAACCTACCCCCA  
CCGTTATTGCAGTTGATTGAAGTAAGCTTTAGCTATCCAAATAAAGAAAATTTAGACTTTCTGATGTTGATGT  
GGGTATTGATATGGAAACGCGGGTTGATATAGTTGGGCCCAATGGAGCGGGGAAATCTACTCTTCTGAACCT  
GCTAGCAGGTGATTTAGTACCAACAGAAGGGGAAGTACGTAGGAGTCAGAAGTTAAGGATTGGGGAGGTAC  
TCGCAACATTTTGTACACCTTCTGACAATGGAGGAAACACCAGTTCAATATCTTCTTCGTCGTCATCCTGACCAA  
AAAAGTCTAAACAAGCAGGATGCTGTTCTGTGCTAAATTGGAGAAGTTTGAAGTTCCAAGCCACAATCACCTCA  
CGCCAATTGCTAAATTATCTGGGGGCCAAAAGCCAGGGTTGTTTTTACCTCAATTTCCATGTCAAAGCCTCACA

TATTACTGTTGGATGAACCAACGAATCACTTGGACATGCATAGTATTGATGCACTTGCAGATGCCTTGGATGA  
ATTCACCGGCGGAGATGTTCTGGTTAGACATGATTCACGACTCATTTACGTGTGTGGGAGAATGAAGAAAAA  
AGTGAAATTTGTGTCGTCGAAAATGGCACT

>trans\_c\_1090 AL161558|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 58

CATCAAAATTCAATTCGTAGTTATTTTAGGTTTGAAGGCTAAGAAAAAGCCTAGTAGAAGGAACCTTCACCAA  
GGCATCCTTATCTTGTCTCCCATCAAGCATCAAAATGCACAAAATCCTAGGTTTTTTTGGTCCGAAGGCGTAGA  
AGGAGTCAGAAATCCATATTCACCTTCAAGGCGCGGAGCGAAGCGACTGGAAAGGTGCGAAGCAGCTCGAC  
TAAGAAAAGGAGGCGCAGAGAATTTGCGAAAGAGAGAGAAGAAAGATTCTCTTTTGCAACTCCGGACTAATT  
AAGCTACGTAGAACCAAAAAACAAAGGTTCTCTTTATTCAATGATCGTCTAGTATCATTCTCAAATTCTTTGAGCC  
TTTTAAGGATAAAGGACTTTCGCTTTCTCTTTATTCAATGAGCTTTGATCCTTCGCAAATTCTTTGCCCCTAACCGC  
TCCTCTCCTTCCTAACCTCAGTCGAGTGGCTTCGCTCTGAACCTATATTTTTTCTACGAGTACCTTCGCTCTATT  
TCAAACCTACGAGTACCTTCGCACCCTATCTTTTTGAGTCGAGTTATTTCTAATCTAAGGGCTCAAAATAAGGGA  
TAAGGACTTCGCTTTCTTTATTCATCTTTGACCCTCTCCTCTCCTTATCAGTCGACTTCTTCGAACCTTATTATTT  
GGAGAGCTATTTCTGAAAATAAAGGGCTCCTGAAAATATGATAATTCAGTCCTTTCGCTTTCTTTATGAAATTC  
CTTGTAATTGACTCCTTATCAGTCGACTTGAAAAGAACCGCCCCGTGGGAGTCGAGTTCTTCCCTGAACCTTC  
GGACGGACCCTTGTTTATTCTGAATCAATGAATAAAGGCTAAAAAACAGAAATCCATATTCCACTTCGGACCA  
CTAAAGATGGAACCTCAAACCTGAACCTAGGACTTCTCTTTCCTGGACTGATTTATGGAATTGAGTTGTTGGATA  
GGCTTTCCCTTTATGGAACCTGAAACTTTCCAACCTTCTCTAGTTTGAGAACTTCAACTTCTAAACCTACTAAATC  
AAGCCTATCCTTTCATCCGCCTGAAATTCATGTATAGGGGTTTCCTTATTAGTTTCAAGGTTAGAAGCAGCTTTA  
CCGAGTTGTAGAGGTTCAAGGGGAAAGCTTTGTTTGAATTCGACCTCTCCTTATACGCGGGGTCATGGACTCC  
TTTTTCGTTTAGG

>trans\_c\_1091 AY651062|Musa acuminata BTF3b-like transcription factor mRNA, complete cds

AGGCTATCTTCTACCTCTTCAAACCACTGAGACTCAAAAACCTCAAAATCACCTTCAAGATGGATCATACAAAG  
CTCCAGAAAAATGGCTGGTGCGTTTCGCACTGGTGAAAAGGTAGCGTGAGAAGGAAGAAGAAGGCTGTTC  
CAAGACAACCTACCACAGACGATAAACGGCTTCAAAGTACCTTGAAAAGAATAGGAGTTAATGCAATTCCTGCT  
ATTGAGGAAGTCAACATTTTCAAGGATGATGTAGTTATTCAATTTACTAACCCGAAGGTTCAAGGCTTCATTGC  
GGCAAACACATGGGTTGTTAGTGTTTCTCCTCAAACGAAAAAATTGCAAGATATCCTGCCCCGAATTATCAAC  
CAATTGGGACCCGATAACTTGGAACAACCTGAGGAAGTTGGCCGAGCAGTTCCAGAAGCAAGCACCTGGAGCA  
GGTGCCGGTGCTGCAGCAGCAGCAGCAGCTGCCAATGGTGAGGATGATGATGATGATGTTCCCGACCTT  
GTCGAAGGGCAGACCTTCGAAGCTGCTGCAGAAGAGAAGCAAGCCTCTTAGATAGAGGAGCTCCAGATGAT  
TTTGTGTTAGCTTTTCTGTTTTTTTTTCTTCTTTACATAATTTAAAAATGTTTGGGAAGAGTTCCATTTTCTCCG  
TGTATTTGTTTTGCTAATCTTTGTTCCCCCTCCACCTTGCTCACATGTAACCTCCCCGATGAATGGATTTTCGA  
TTGCCTGCCCCGCCCCCTCCCCCTTCAACTGCCAGCCTTAATTCCTCTGAGTAATGTTTTCCATATTTAATGTGC  
GGAATTTATAGAAAAATATGGGGATTAAAGTTTTAAGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCAAAAAAAT  
AAAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCTCCCCCAGGGGGGGGGGAAAAAACCCCCCCC  
CCGGGGGGGTTTTTTTAAACCCCCGGGGGGGGGAAAAACTTGGGGTTACCCAAAATAAACCCCTTTGCAAAAC  
CCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAA

>trans\_c\_1092 NM\_001160783|Arabidopsis thaliana metalloendopeptidase (AT4G20310) mRNA,  
complete cds

ACTGACGGAAGGGGACGTGGCGGCCCAATGCCAGGAAGATGGAGGCGAAGTAAGAGATCCATGGCTCAGG  
TCGACGTTACGCTCATATTCCTTCCCTACTTCCGCTTACCACATCTCGCAAAGGTATTTCAAATGCCATTTCTG  
CTGGTACTGCGATTACAAGATCACCTCGTTCAACGAACCTATTTTCCAATTTGGACGAAGGCATGCCAGGGCTC  
TGAGAACATGGTTCTCGATTGGGATTGGTTTCTCTCTTGGCGCTCTTGCTGTTGTTGCCACGGTTCTTTTCGGG  
AAACTAAAATCATCATGCATATTTTTGTCAATAGCAATGTGATTCTGGACTTCCTATTTCTGTTCTCTCGTTATT  
TGGTCTTCCTTCGTTGATTTCCAGCTGTAGTTTTTCCCTGCTGGTGCTGGATACATAATTATCTCCACCTTAATA  
TCTGTAGCTTTTCATGAATTTGGTCATGCTGCTGCTGCTGCAAGTGAGGGCGTGAAATTGGAGTATGTTGCTG  
TTTTTATTGCACTCCTTTTCCCTGGTGCTTTGGTGGCTTCAATCATGATGCACTGCAGGATTCATCATGCTTCA  
GTGCTCTTCGTATCTACTGTGCTGGTATTTGGCACAACACAGCTCTTTCTGCAGCTTCTGGATTGATATTATTCT  
TCCTGCCACTGATTCTGTTTCTCTTTACATACATGGCCAAAGTCCCATGGTTCTGGACGTTCTTATACTTCGC  
CATTGTCTAATTATTTGTCCCATGGTCATGTAATTCTGTCAATTGGATGGCATGCACGTTACAGTGTGGATGAT  
TGGATCAATCTATCGGCTGAAATAAGTGAATTAACATTTCAAATGAAACTCATTCCAGGCTTGGTGAAAACA  
ACCTAATGGCCAATGGCAGAAGAGGATATTGTTTTCCAAATTTTATGTTGAAGGAAAGCAATAAAGTTCAGTT  
CACACATGATCAAGCAACTTGTATTGGCGACTTTACTTCTTCTACATCTATTCTTGTGTTAGTTCTACTGGTTTA  
ATTGATGGTTATACAGAAGATAACAATTCTAACCGCAAAGAAGGGATATATTGCTTGAATGTCAATGATGTTA  
TGAAGCTTAATAAGTGCTCTAGTTGGGATAAAGCAATAATCAATGATAACACTAGCTCCTGTATGTGTTACG  
GGATGAAACTTG

>trans\_c\_1093 NM\_001035763|Arabidopsis thaliana zinc finger (CCCH-type) family protein / RNA  
recognition motif (RRM)-containing protein (AT3G51950) mRNA, complete cds

TAGCTTTGGAAGTAGTATCTCCTCGGATATCCTGAGAGAGAATGGAGCTGCGCCCGTGAGAACACCTCCGCCT  
GTGTCGGTCATGGCGACATCTACTGATATGCCACGACAGGCATCACCGGTCGATAACGGAGCCTTAGCAACA  
ATTGGACAAGGTGGGAACGACAAGGAGAGATCTCAGATTGATGACAGTGATTTACTTGAATGTTTTGAGCAC  
AATCTCCCTGATAGTCCTTTCGCATCTCCTGCAAAAGCCACGGGCGACTACGCAACCAACTTCTCCGACATAGC  
AGCAGTGGGGGAAGCAGCAAACGACTCCGATGACGCATCATCCTCAATTCTCACATCAACTTCTCTCTGGAA  
GTAGCAACATCCTTCAAATCCTACAATTGCCAGATACCAAGTTCCCATCCGGCCACAGCCCGATCGGAATGT  
ATGCAGGAACGGGCGGGCCGACATGTCCAGTGGGAATTTAGCATCCAAAGCAACAGCAGCAGGTACTGTTTG  
TTGAAATGATTTCCCCATTGAAAAAAAAAAGGCAAATGGGGGTGTTTTAACAATCATGTTTGGTCAATTCCAG  
GAAGGAAATAAATATTAATAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGTGAATTAACCAAAACAAAGAAAGTACTATATG  
AAAAAAAAAAACAATATCTATAGAGAATCAGCAGAAGAAGCAGAAGCAGTAGCTCCACAAAGGCTCCATCAT  
CAACAGTACAAAGAGGGGAAAAAAAAAAGAGAAGCATATATATAAGAGGAAAAAATGGGGTCACCCAT  
TTTTTTTTTATTATCATCATTATTTTTATTTTTCTTCTTGTATGTTAATTGTTGTTGTAGTAGAAGAGAGCAG  
TAGGTCAAAACCCATCTTCTATCTCTTTAGTGTTAAAGAAATTTGAATATATAGGTTTAAGTAAAAAAAAA  
AAGGACACACAGAAAGAAAGAAGTTTTTTTTTTCTTTTTCTTTTCACAGAGTACTTAAATGTGTAGTAGTAA  
GGAAAAAAGTGGTAGGGGATGAAGAGAAGGAAGAAGATGATGATGATGATTGGAGTGTGGGGGACTGTAA  
TATTCAATTTTAATTTGATTTTCTAATACTTTTCTTAATTATATTAATACTTCAACTTTTATGTTCTATTTTAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1094 BT025652|Arabidopsis thaliana At1g06460 mRNA, complete cds

ACTGATCATCACTTCTTCGCTACAAAGCCCTTTGACACCTTCTCTATAAACCGCTACAGTTTCATTTAATCTCAG  
GCTTTTCGGTGATATTCTCATGGATGACCACGCCGGAACGTAAGTCTGACGTCCTTGCCGCTCACCTCACTC  
CCGCCCCGCGATATTTCCCCCGCACATGGCCACCTTCTCCCTGCGAATTGTTGTAGCTATGGAAGTTCTGTATT  
GAAGGTGCGATAATAAGACGTACTTTGCAAGACAAGGATCTGAAGCTTGTGGTGCTTATATGAGGCAAGCTT  
CAACTACAGAGGGTAATCGACGTTCTAATTCTCAGGCGTATCCGGATGCCTCTGAGAGACCATTGTATTCAAG

>trans\_c\_1095 NM\_118359|Arabidopsis thaliana ATCES1; catalytic/ hydrolase, acting on carbon-nitrogen (but not peptide) bonds, in linear amides (ATCES1) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1096 XM\_002892356|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcription factor IIA large subunit, mRNA

[illegible]

CTGGGGGTAGCGGTAATAATAATGTTGAGGTCAGATCTGGAAGGCCAACCCCATATATGCAACCACCCTCTTG  
GATGGGTCAAAGAACTCCTGTAGACGTTAATATTGCCTACGTGGAGGGGCGTGAGGAAGCAGACAGGGGAG  
CTGCTGGCGCTCATCCATCCCTTACACAGGACTTTTTCATGATGAACTCGGGGAAGCGTAAGCGTGATGATTTT  
GCTTCCAGTACCAAGCTAATGGGTTTATACCTCAGCAAGATGGAGCTGGAGATGCTGCCAATAGTGTTCG  
AGATTGAGATTAGTGGATGCAATTCTTCTGATGGAAGGCCTGGCGTTATCACTTCTGCAAAGAGTGCAACATC  
ATCATATATTGAAAGGTCATTATTGAAGATTCCACAACCTGATGGACCAATGCCTGATCCTTATGATGATGTGC  
TTTCAACACCTAATATATACAATTACCAGGGTGTCTTTTCATGAGACTACAACATAGCAAATACACCAGCACCT  
AATGACCCACAGCTGGAA

>trans\_c\_1097 EF426861|Solanum lycopersicum WPP domain-interacting protein-like mRNA,  
complete sequence

AAGGTCTGTTACGGACGATGGGGACAACAGCGATGGCGCTTATGCAGGTGATCAACAATTTAGTGAAGAAGC  
TGAAACTGCATATAGGAAAGAGGATGAGGTAGAAGCTGAAGATGTTACTCAAGATAATTTGGCAGCGGACTT  
GTCTTGGGAAGTTAAGGATGAAAAGGATAGGAATCACTGGTCACCTTTGAATAAGGATCCCATGGATGAGTC  
TATTCTCAGCCTCCAGTCTGCGCAACATGCGCTTGAAAAAGAAATCAAGAAGCTAAGGGAGATTGGAAAGGA  
CGAGATAGCATCTTCCAGCATAATCAATGATGCCGAACCTTCAAGTTTTGCGCATGACAACCTAGAAACACAA  
AAATCCAGTTCGTCTTTCCAAATGGGTCCCGGGAAGGCTGCTACAAGTTCCTCTGAAGCCACAGTTCTGTGCTT  
GACAGGAAAGGTGAACTTTTTGGAGACCAAATTAGAAGAGACGATGTCCATACTCAAATCAAAGGAATCCCG  
AGTTGCTGAACTGGAATCATCCATTAGCACCAGCAAGTACCCAAGCAGGAAGAAGTAATGGAAATAGAGAA  
GGAATTTGAGAGGTTTTTTTAGGCAAAGACTCGAAGCAGAAATTGAATATTTGGCAATAGTAAGAGCAATTG  
AGAATCTACAATGTGGAATAGTAGTTGATGGTAAAAAGATTTTGGCTGATGAGCAAGTAGAGGTGACGAACA  
GACTTAGAGAAGCTGAAAGTAAAGCTACAGCGCTTAAGAAACGAGCAGAGGGATTGAAAAATACTGTGGT  
GATGTATTGGAAACCGAGGAGGTTTTGACGACTCGAGGGGAAGTATTCAGGTTAGTTCTTGTGCATTTCTGC  
AGTTGATACTCTTGATCCTCGTCCTTTGGCTCTTTGTCTTGCAAATGCCTTCACCTGCTGAACTAGTTGTACAA  
CATAATTAAGCCTAGAAAAAGGAGATACATACCTTTGAATTGAACAGTGTTTAACTAAACGGTTTTTTTCTTT  
TTTTTGTCCCTTTTATCATTGTGCGTAGAAAAAAATGGAGGAAAAGGAAAGGGGCAAGTAGGAATCTCA  
GTTGTAAGTTGTTTAATGGGTTTTTTGTTTTCTTTTCTTCTGCTGTAAGTGTGTAGTCATGATTTTTTG  
ATAGACACTAATAGAGCTCTAAAAACGTTTGCA

>trans\_c\_1098 DQ849630|Phelipanche ramosa methionine synthase (met1) mRNA, complete cds

AATCATCCCCAAGAGTGACAAATGAGGCCGTCCAAAAAGCTGCTGCTGCTCTGAAGGGCTCTGACCACCGCC  
GGGCAACAAATGTAAGTGCCAGGCTGGATGCTCAGCAGAAGAAGTTGAACCTTCCAATGCTGCCTACAACAA  
CAATTGGATCCTTCCCTCAAACCTATGGATCTTAGAAGAGTGCACGCGAATTCAAAGCAAAAAAATCTCTGA  
GGAAGACTACGTCAGCTCCATCAAGGAGGAAATCAATAAAGTTGTTGAGCTCCAGGAAGAGCTCGACATCGA  
TGTTTTGGTGCATGGAGAGCCCGAGAGAAATGATATGGTTGAGTACTTTGGAGAGCAACTGTCTGGCTTTGCC  
TTCAGTGTCAATGGTTGGGTCCAATCCTATGGGTCCCGCTGTGTTAAGCCGCTATCATCTATGGTGATGTCAG  
TCGTCCAAAACCCATGACCGTCTTTGGTCGACAATGGCTCAGAGCATGACAAAGCGGCCTATGAAGGGAAT  
GCTTACTGGTCCAGTTACAATTTTGAACCTGGTCTTTTGTTCGGAATGACCAACCAAGGTTTCGAGACATGCTACC  
AAATTGCCTTGGCAATTAAGGACGAGGTTGAGGATCTCGAGAAAGCTGGTATTACTGTCATCCAGATTGATGA  
AGCAGCACTGAGAGAAGGTTTACCTCTCCGAAAATCCGAGGAAAATTTCTACTTGAATTGGGCTGTTTCATTCTT  
TCCGAATCACCAACTGCGGTGTTCAAGATACCACCCAGATCCACACCCACATGTGCTACTCGAACTTCAATGAC  
ATCATCCATTCTATAATCGACATGGATGCTGATGTGATCACCATTGAGAATTCAGATCAGATGAGAAGCTCCT  
GTCTGTCTTCCGTGAGGGAGTAAATACGGTGCTGGAATTGGACCAGGAGTCTATGACATCCATTCTCCCCGT  
ATTCCCTCGACTGAGGAAATTGCCGACAGGATCAACAAGATGCTCGCTGTTCTCGAAAGCAACATCCTCTGGG

TGAACCCTGACTGCGGTCTTAAAACCCCAAAGTACACTGAAGTCAAGCCCCCCCCCTCAACATGGTTGCTGC  
TGCTAAGCTCCTTCGCTCACAATTGGCCAGTGCCAAATGAGTTTGAGAATGCGGTGGCAAACCGTANGAAGA  
AAAGCACTTCAATTTTCAATAAGATTTT

>trans\_c\_1099 NM\_123907|Arabidopsis thaliana CLPP4 (CLP PROTEASE P4); serine-type  
endopeptidase (CLPP4) mRNA, complete cds

AATCGTCTCTCCACTTTTTCTCCGTTTCAGAGGTGAAGCAGAGCAGTGGCGTAAATCCATGGAGCTTCTTGCA  
CGCTGTTCAACTCTTATTCCTCAAGCCTCCTCTCTCGGCCTTCCCAATTCTCATGGAAAACCATCTAATTTCTTCC  
CCAAGCTCAAATCCACTCTTTCTTTTCTTCGGCGTCATCAGTACTCAAACAACCGCTCTTAAACCTCCAGAA  
CCCTACCTCCGCCGTGCTCCGTTATGACGGCTCCTCAGACTCCGGATGCCTCCCGAGAGGCGCTGAAACTGA  
CGCCATGGGATTGCTTCTCAGGGAGAGGATCGTCTTCTTGGGGAACAGCATTGATGACTTTGTAGCTGATGCT  
ATTATCAGTCAGCTCTTGCTCCTGGATGCTCAGGACTCTACTAAAGATATCAGACTCTTCATTAATTCCGCTGGC  
GGCTCTCTCAGTGCTACCATGGCTATCTACGATGTCGTACAGCTTGTGAGGGCCGATGTCTCCACTATTGCACT  
AGGCATTGCAGCCTCAACAACCTCCATAATCCTCGGTGGTGGCACTAAAGGAAAGCGCCTCGCAATGCCTAAT  
GCACGTATCATGGTTCATCAACCTCTTGGACGAGCGAGTGGGCAAGCAATAGATGTGGAAATTCAAGCACGC  
GAAATCATGCATAACAAGAACAACGTTACAAGAATCATCTCCGAATTCAGTGGCCATCCATTTGAAAAGGTCC  
AGAAAGATATCGATAGGGATCGTTATATGTGCGCCATAGAGGCTGTAGAATATGGATTGAATGATGGAGTAA  
TTGACAGAGACAGCATTATACCTCTCGTGCCAGTGCCCGAAAGAGTGAAAGCAACTTTAAATTATGAAGAAAT  
GAGTAAAGATCCCAGAAAATTCTTGACACCAGACGTCCCTGACGATGAGATATATTAGTTCGGGACGTAATGA  
CAAATCTTTCTCTAGGGCTTTGATTTAAATGATTTACATGTAGGATCTTATGTGTAAGCAAAGTCATGGTAGGT  
GGAAAGCAGAGATATGATGGAATTTAATGAGCTAATCATCTTTAGAGTTTCGACTTTTGCGGAAATGTCTCTA  
CTTACCAGAAGTTAAAAAAGGTATTGGGAATTCGGAATCTTTTTTTTGTATGACATTTTTCACATGAGCAATG  
AGGATGAAAAAATTGATATT

>trans\_c\_1100 XM\_002876454|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein farnesyltransferase subunit  
A, mRNA

TAGTATCGTACGCCGTACGGTCTCGGAGGGTTGAACTACAATGGGAAGTGGAAGCAGAATCTTTCTTACTCAT  
GGAAGTGTACACGATCCCTAATTACCTTCCACTCAAACCTCTGATTCTTCATCTTTCCTCAACTTTTCTGGTTTCGA  
TTGCGTGTTTTCCGAGCAATATCGATGGATTCGATGATAGTTTACCGATCAGCGAGCGACCGGAGTGGTACG  
ACGTGACTCCGCTTCCGCAGGACGATGGTCCGAATCCGATTGTGGCGATCGCCTACAAAGAAGACTTCTCTCA  
GCTCATGAGTTATTTCCGAGCTGTTTATCGAGCAGATGAGCGTTCTCCTCGTTCTCTCCACCTCACTGCTGAAG  
CCATTGCTATGAATCCTGGCAATTACACTGTCTGGCATTTCAGGCGTTTGATACTCGAGGCTCTTAATGTTGAT  
TTACATGATGAACTAAATTTCTTGACAACATTGCTGAGTCTAACACCAAAAATATCAGATATGGCATCATAG  
GAGATGGGTTGCTCAGAACTGGGAACCAATGCGGCAAAACAAAGAGCTTGAATTCACCAGAAAGATTATCTC  
CCTTGATTCCAAAAATTATCATGCTTGGTCTCATAGACAGTGGGTTCTTCAGGCTCTGGGTGGATGGGAAGGT  
GAACTTGACTATTGTCACGAGCTTCTAAAGGAAGATGTTTTTAATAATTCTGCATGGAATCAGAGATACTTTGT  
CATAACCAGATCTCCCTTACTGGGTGGCCTACAAGCCATGAGAGAATCTGAAGTGAATTATACTGTTGAAGCC  
ATTCTTGCTCATCTGAAAATGAGAGTTCTTGAGATATCTGCGTGGACTTTACGCCGGTGACACACAGTCATG  
GATTATTGCTTCTCAAGTTTCTTCGGTCTGTTTGAAAGTTTTGAAGAGTAAATTAATTTTTGTTTGCTTTGAG  
CACCTGTTGGATCTTCTCTCCATGGTTTCCCGTCAACCCAAGAGTTCAGAGATGCTGTTGATGCTTTGAGGG  
TACCAGACGACAATCAAACAGATTCCAACCTAGCCAAAATGTATGTTTAATCTTGGAACGTGTTGATCCAATC  
CGAGTAACTATTGGCTCTGGCAGAAGAGCAAGCTCCCGCAGTAAAAAGTCAATTCATCAGCTTATTTTGGCC  
ATCCTTGAGGTTCAATTTA

>trans\_c\_1101 AY113009|Arabidopsis thaliana AT5g59210/mnc17\_100 mRNA, complete cds

ATCCTCCGTTTTTCCTAAACGAATACTACCTCACGCTCGGATCTCGGGGACTAAGAATCGGTCGGATTCTGTGTA  
CGCTCGTACGCACGCTAAGTGCTCGCCGAATAAGGGGAATCTGACATACGTAGCTTGTTTTTCCAAAACATTTT  
CTTATCCCTCGTCGTTCTGGTTAGTGATCTAATCAGTGATGCTCTTTAGACTTCATTTTAAATTACAGCTGACTA  
GCCTTTCTGTAGGTGAAAGACTGTCTAAAGCAAAATGAAGCACTTCGCAGAGTTCTAGACGAGTTGAGAACA  
GAACAAGCAAGGAGTCTGCCGATATCATATAGAGATGGGGCAGTTGAGACCCAGACTCCCTCATTAACAGCT  
GAACTTCTCTCTCTCAAGGTTAGTCTCTTGCTTAGGATGCATTTTTCTGCCTTTTTTCACTTATATGTCACAATGA  
AGTTGGAAGTTCTTTCAGGAAGTTGAATACTTAGCCGTATGTTAGTCAAGTGATCACTGATTATGGAGGAAGT  
ATTATTTCTTCTATAGAATCTTTCAGCTGTACTTTGTTAGACTGTTACCTAGGTTTCTTCTTCTACTTTNAGGGT  
GGTTGTCTAAGTATTCATTATGCTAATAATTTGATTTTCTATAATTTCTTTGAAGGGTCAACTTGCAAAAGAAC  
AGAGCAGAGCAGAGTCACTATCGGCAGAAGTATTGGAGCTGTCGACACGACTCCAGCAGGCTACACAAGCAT  
ACAACGGGCTTACACGCCTCTATAAGCCAGTACTGCGGAATATTGAAAGCAGCCTTTTTAAGATGAAGCAAGA  
TGGATCTGTTGTTGTAAGCTGAATACATCTGTATGCCCTTGAAATTTGCATAGAACTCTTGGTCAAAATCA  
GCGTGTCTGAAGTTGAACAAGCATAGCATGGACGAGGTTGATGTAAGGTTTATCATATGTCGCATATTTTTT  
CATTTTGTAAAGAAAATTTATACCCACACCAACCAACAGGCCCTTTTGGAATGTCCTTTTAGCTTTTGGTAGA  
TTCCAAACCAAGCTACAGTATAATCATATTCAGTTTGTTATTGAACTCAATAGATCATTCTTTTAACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1102 NM\_104387|Arabidopsis thaliana RNA binding / ribonuclease III (AT1G55140)  
mRNA, complete cds

AAGTAGAAAAAAAAAATGGTAACTTTATCGGCGACTTCGACGTCCATCGTTGCTTCATGGGACACTCAACAGA  
GGCTTTCATACAATCCCAATACCCCAAGAAACCCCAACAAGAAACCCAATTCTCTTCTCCTTCGCCAACCTCAC  
AATCCACCGGAAATGCAACCTTAACCGCAACGACCATTCGAACCGACCAAATTGTCTCCGACCTCCTTAACCGT  
CGCAATCGCAGCTCAATTGAAGGCTGCAAATTGGAGGAGCCAGATGGTCTCTATTTGGGATATGATCAGTGG  
TTGCCAGATCCACCAAAGGTACAGAAGCCGCGGTCTGTGTTCAATGCAGCTTCATTAGCATATATTGGCGACT  
GCATCTATGAGCTATATGCTCGCCGGCACTTTCTGTTCCCTCCGTTGAGTATCGAAGAATACAATGACCGTGTT  
ATGGCTGTTGTACGTTGTGAAGCACAAGATGTTCTACTGCAGAACTTCTAAATGATAATTTTTTAACAGGGGGC  
AGAGAGGGACATCCTTCGATGGGGAAAAAATGTTGGTTCCTCCTCTAAACACGAACCAAAAAACGTGCTGG  
TGCTGCAGATTATAATCGAGCATCTTCGCTAGAAACCTTAATTGGTTACCTTTACCTGAACAATGTGAAACGAT  
TGGATGAAATCATGCAAAAACCTTGGCTTCTCACTGATTCATCCTTGCAATTGATTCAGAGGAATCAAATAGT  
GATCAACCAAGGACGTTAGGTGATGAAGAAAACCTCTGATTGTCGTTGAGCTAAACCATGGTACTGCGCTAAT  
ACTTCAAAACAGATTAATCCATTGATGTCTTTACAACCTGGTCAGAAATCAATTTTCGTGGCTATTGGTTCTGCAT  
GCTCTCTGCACATCGTCCACCTTTCTTCCAAGTCGCAAAGTCTTGTCAAATAGGCATGTTTAGTTGACATTTT  
TGGTTACTGTTCTTGTCTTTGTGTGAGTTCTGTAATTATTCTATAAAATTCAGTAATCACTTCCCAGTTCCAC  
TTATACCATGTTATATATTTTGATGATTTCTCCAATTTCTATCTGTACCAACATTGCATGGAATAGAGATACCAC  
ACCTTATAGGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1103 CT029795|Poplar cDNA sequences

CTCCGTCGCGTAATTTCTGTGTCTTTTCCTTGCTGCCATTTCTTCGTTTCTTTAAGGTCTAGTTTCTAGTTTGATT  
GGATTCCATTTTCGCGATCTTCGATAACTATCGAGTTTTTTTTGTTTGTTGTGAGAATTCATCGGAGATCAATTTG  
TAGAAGAAGATTTTAGAGTTTAATCGATGGATGCCGATTCATGGGATGCTCCTTTTCAAGTTTCGCGACGCTAC  
CGATCGCGGTCCGGCGTGTATCAGGGAGATCATGAAGAAATTGAAGAGGACAATTCAAGAGCTGAATTTTAA  
TGTCTTTTTGCGCCGAGGATTTGATATCGTAGGTCTTTATTGTCACGTCGACGAGGAGCACCCGGTGGAAG



TCAAGAACGCGGTATGTCCACTATGCACAAAGAAGGTGGGGATGGATATTGTTGGCCACATCATCTCACAACA  
TGGGAGCCTTTTCAAGGTGCAGCGACATAGGAGATTGCGAAAAATTGGATCCAATTTGACATTTTCAAACTG  
AGAAAAGAGCTTAGGGAAGGAACTTGAGATCCCTTCTTGGTGGTTCTTTACACTCTGCACCAACAAGTACTG  
AGCCTGATCCATTGTTGTTTTCTTTACTTCTAATCTGCCTACGGTCAGTAAACCTGACAGGGTGCAGCCTCAG  
TCATCAGCCGAAGTAATTCGTCAAAGGAAAATCCTAACGTTCTTCCAGAGAGGAGCAATTCCTCAAAGTTGG  
CGGCTTCAAATAATAAGGATGTAAAGGAGAAGGCTCAGAAATGTGAGTTTGTACAAGGGCTGTTGATGTCTA  
CTATTCTTGATGAGTTATGATTGGTTATAGGTTTCGTGCGAGGAGGAGACCTTGCCAGTTAAAAGTACGTAACC  
ATGAGTAACCATGAGCGTAGGTTATCGGGATGGATCAGTCTGATTTGAATGTTGCAGCAGGTGGCACGGCAA  
TAGTTATTAGGTAATGTAAACCATGCAAGGTTCTATTATCCAAAAGTATATATGTGCATAAATGGAAAGATGG  
AAGTTCTTCTTTTATCAACATTTAGTACTATGATATGATAATGCAACTCTTAATCATAGATAACTCTCCCGTTCCC  
CTAGAACTTAAAGAGTTTGCTTGGGAAAATAATGTTAATTTCAAGCTATTTAAAAGGCTACCTTTGCTTAATAT  
ATATGTTTGTAGGCTTTGGTG

>trans\_c\_1104 AB067683|Pyrus communis PcPME3 mRNA for pectin methylesterase 3, complete  
cds

ATCACAAAAATCTATGGTCTATCTGGATTCTATATGTATGGACTTGAGCTCTCTTCTATTTTCGCACACAAAAGTA  
GTTCAAAGCCAATGGCTTGCAAGTTCTGTTTCTCCTTTATTTCTTATACTCTTAACCCTTTTACCTCTTCATTT  
GCTTCAGATGATTCTCTCACTAATATTTTCCCTACCAAAGCCATTTGCAAAGTACCTCAAATCCTTCTTACTGCA  
TCACTGTGCTTAAACAATCCAGAGATGGTAATATCTACGACTCTGGCCGTTCTCAATTCGTCGTTCTTTATCTA  
AAGCCTCTAGATTCCTTGACTTGATTGAGAAGCATCTTCAGAACTCTCAACTCTACCAAATCCATCATCGGA  
GCTCTCAAAGATTGTCAGTACCTTGCTCAACTGAATATGAATTTCTTGCTAATTCGTTTCGGGCTGTTAATGGC  
ACTGATAGAAAGCTAACTTACTCAAAGCTGATTATATCCAGAGTCTTCTTAGTGCCATCTTAACCAACATAGA  
TACTTGTCTTGATGGTCTAAACACTGTAGCCTCAGGTTCTAGTTTGGAGAAAGATCTATTAGCCCCACTTATTG  
ATTGTACTAAATCGTACAGTCTTTCTCTTGATCTTTTACAAAGGGTTGGGTGCCTAGGTGGAATAGAAACAGA  
ACACTAGAGCAGCCTGGGAAAAAACACCTGCAGTTTAGGAAAGGACCGTTGCCATTGAGAATGTCGAGACAC  
GACCGTGCTGTTTACAACCTCGGTGGCAAATCGGAGAAAGCTTTCGTCTTCTTGATGATGGAGTTTTGGTTAA  
TGGTATTGCAGTTGTGAGTCAAGATGGTGAAGGAGACTTCCTAACATCACAGATGCTATTAATGCAGCTCCA  
AATAATCTCTTGCTGCCAATGGCTACTTCTTGATTACATTACGGCTGGTGTTTATCAAGAGTATGTGTCTGTT  
CCTTCAAAGAAGAAGTACTTGCTGATGATTGGAGATGGTATAAATCAAACCTATTATCACAGGCAACCGGAGCG  
TCGCTGACGGATGGACGACTTTCAACAGTGCAACTTTTGCTGTAGCAGCAGAAGGATTCATGGCCGTAAACAT  
AACCTTCCAAAACACAGCTGGAGCAATCAAAGGCCAAGCAGTTGCATTAAGAAGTGGAGCTGATATGTGCGT  
TTTTACTCCT

>trans\_c\_1105 BT026130|Arabidopsis thaliana

AGTCGAAGGAATTCAAGGAGTTGAATGTAGGGTTTATGATGGATGAAGGACAAGCTTCACCGGGAGATGAG  
TTTAGGGTTTTTTACGCCGATAGATCGCCATGGTCGTTGATAATCAAGGCTAAAGGAACCCCTGGCCATGGAT  
CTAGAATGTACGATAACAGCGCAATGGAGAATTTGATGAAGAGCGTGGAGATTATCAGTAGATTACAGAGAGA  
GCCAATTTGAAATAGTCAAAGCCGGTGAAGCTGCTAATTCAGAAGTCATCTCTGTGAATCCTGTTTTTGTCAAT  
GCCGGAATTCCTTCCCCACAGGATTTGTGATGAACATGCAACCGTCGGAAGCGGAGGCTGGGTTTGATCTCA  
GATTACCGCCGACCGCCGACCCAGATGCTATGAGAAGAAGAATAGCGGAGGAATGGGCTCCGGCATGGCGG  
AACATGACTTATCAGATAATTGAGAAAGGACCTTAAGAGATTACTTAGGAAGTCCATTAATGACGATGACAA  
ATGATTCAAATCCATGGTGGGCTGTTTTTAAGGCAGCCATTTCCGACGCCGGAGGGAAGCTTTCTAAGCCCGA  
AATCTTGGCTACGACTACGGATGCTCGATTATGAGACAGATGAGGATTCCTGTTCTTGTTTCTCTCCAATGA  
TTAACTCCAATCTTACTGCATGATCACAATGAGTTCTTGAGTGATTCTGTGTTTATAAGGGGAATCAAGGTT

TATGAATCCTTAATCAGTTCTTTGAGTTCCTTCCAAGAGGATGTTTCTTCCAATAATAAGCATTGCTCATCCTT  
CAGAATTCTGATGGAACCAACACCGTAAAGTATCCATTGAGAATGTCAATTTGAGAGGCATATAGCTTTATAT  
GCAAAAAGTAAGCTTTCTTCTGACCAAACCCGATCCATTTTACTATTGCTATCTATTTGGTCTTTAACTTTAAAG  
AGTTGTTTAGAATGCTTTGAAAAGACTCAAATAAACGATAAATCTCAATGAAATGATACGCAAACTTTGTAG  
CTTTATGTTTATTGAGTTTGAATTTATATTGTTGAATAAGACTGTTATGGTTGAGGAACTTAAATACTCTTTCAC  
CCATCATTGTTATGGAGAATCAAACCTTGAAGTTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1106 XM\_002324021|Populus trichocarpa aquaporin, MIP family, NIP subfamily, mRNA

TCCTTCAAAAATCAAACTAATTATTCAAACATATATTAATCGCTCCCAATTTTTCAAATTCCTTAAAGAAATG  
GCGAGACGCAACGACAATGAAGAAGCCTTTATTGCCTTGGGAAACGAATGCTCTGATCCTCAACCATCCTTGT  
TCCGCGACCGATTGATGAAGTTTACCCACCCGGGTTCTCACGAAAGCTTGTTGGCGGAGGTGATTGCTACGTA  
TTTGCTTGTGTTTGTGTCGTGTGGTGTGGCGGCATTGAGTGGGAGTGATGAACAGGAAGTGTGCAAGCTTGG  
AGCTTCAATTACCTGTGGATTGATTGTCACGGTGATGATTTACGCCGTCGGACATATCTCCGGCGCTCATATGA  
ATCCAGCGGTTACTATTGCTTTTGTGCTGTTTCGGCGATTTCATGGAACAGGTTCCACTTTACGCAGCAGCT  
CAACTAAGTGGAGCTACATCGGCAGCCTTTACACTACGCATATTATTGGATCCAATTCAAGATTTAGGTACAAC  
TTCACCACATGGACCGGCTTTGAAGGCACTTGTTATGGAGATCGTTGTCTCATTTTGTATGATGTTTGTCACTTC  
GGCGGTTGCCACTGACACGAAAGCTATAGGAGAGCTCGGAGGCATAGCTGTGGGGTCGGCTGTATGTATCTC  
CTCCATCTTTGCTGGGCCAATATCGGGTGGATCAATGAACCCAGCAAGATCAATAGGACCAGCCATTGCAAGT  
TCACGTTACGAAGGAATTTGGGTGTACATGATCGGTCCAATTACAGGAACCTTTGCTTGCGGCATTTCATATAA  
TTTCATACGAGCCACTGAAAAACACACCCATTCACTCTCGTCACATTGACATCCAATCAATCGGATCGTGCTGG  
AACTTCAAGTCATACCAAAATCAATGAGTTCAATTGTTGTATAAATTAATGTGTACTCCTATAATAAAAGTTGT  
AGTTTAAGTTGTATTTAATTTTAGAAAAATTAAGGTAAGGTTAGTTTAAATTTGCTTGCATTTATTTGTTTTT  
TAGTTTTGAGAGAAGAATGAATCTGAAATAGGGAATCATTTTTATTATTGTTGTTATTTTACAAGTGTGAGTTT  
TGATCTGATTTTTTTTTTTTTTTTTTACAATAATCAACCATAAAATTGGTTCTTCTTCCGAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1107 NM\_001072224|Oryza sativa Japonica Group Os11g0136800 (Os11g0136800)  
mRNA, complete cds

GGTCGAAGAGTTCTTTATCACCTGATAAGCTCTTGTAAGTCTGTTGGAATATGCTGGAAAGGATTTGAAGGTGGA  
GAGGATGGCAGTGCCGCTGAGAGATATGGAAAATGAGGATTTGTTGGATTATTTGAATGTGTGCTATGATTTT  
ATTGAGCGGGGTAGAAAAGAGGGATCTGTTCTGGTGCAATTGCTTTGCTGGAGTATCTAGAAGTGCTGCCATC  
ATCACAGCATATCTTATGAGAAACGAACAGCTATCTCTAGAAGGTGTGAATAAGCATCATTTGCTTGACCTACT  
ATGAACCAAGTGTATGAGTAGTTGCTTATGGTCCAATCAATTGCTAGTTTTTCTTTCATGACTATCCGTTGATGC  
AGATGCACTTGATTCTTTACGAAAAAGCAATGAATTTGTCAGCCCCAATGATGGATTTATGGAGCAGGTGCTC  
TTGGAAATATTGTTAATTCATAAGTCACTGAAAGGTCTTGTCGAGAATCAATGCCTTAGTTAAGCCATTCTAGT  
TTGCTAATTACTCGTCTATATTCTTTCCAGTTAAACTGTTTCGAGGAAATGGGTTTCAAGGTTGATTATGCCAGT  
CCTATATACAAGCGTTTTTCGCCTGAAAGTATTGGGTGAGTCTATAACCGTGGGGAAAAAATCAACATTTCTA  
AACTTGGAGCAGATCCAGGCTTGCCCGTGAAGTTGCTTCAGAGGTACAGTCATCCCAACAAGTAGAATTTTC  
CCATTTACGTGCATACCGCTGCAAGAAATGTCGAAGACTGGTCGCTTGCTGGAAATGTAGTGATCACATT  
CCTGGGGAAGGTGAGACGTCTTTGACTGGTATAAAAGAAAAAGTGGAACCCCTTTTAAACAAGTCAGAGGAA  
TCTGAGTGTTTCATCATTTTTTGTGAGCCCCTTCGGTGGATGACAGGAGTTGAAGAAGGTGCATTGGAAGGGA  
AACTATCTTGTGCTCATTGTGAAGCTCGTCTTGGATACTTTAATTGGTCAGGCATCCAATGTAGTTGCGGAAGC  
TGGATCACCCAGCATTTTCAGCTTCATAAAAGCCGAGTTGACATCTCAACTGTCTAATACTTTTTGCGGGACAG

AGAAACAGGGATGACTATAATCTCTCTCTCATAAATGCAGATAGTAGATAGATACTATATGCTTCCGCC  
ATTAGGGAAAAGGACTACATA

>trans\_c\_1108 BT006430|Arabidopsis thaliana At1g06620 gene, complete cds

TGGAAATGAAATGAATTATTGCTTCCATAACAACAGGACACACAACCTATCCACCTCAACAGTACTACACACTGC  
TGCATTGATGCACGTCAAACAAAAAAATTTGGGAGTTTCTTACGCTTGTGTTTGAGTTGATGCATACTGGAG  
AGCACATAGACATTTTTGCTTCTTTCTTTTAAATAGTTATGAACTTTATTTTGTTGATGCATCGCAACCAACC  
AGCTTTTCAGGATAAGATAAAGATAGACAATGGCGGATTGAGGCAACAAATTCATCCTCACTCCACTGTCCAA  
AACCACATAAAATTACGATAGATCTTCTGAGCTCAAAGCTTTTGATGACACTAAATCCGGTGTCAAAGGATTA  
GTCGACGCCGGAGTCACTGAAATTCCACGCATCTTTTACAGGCCACCAGAGGATTCCGATTCCGACGATGTTT  
CTAGCAAAACCCAAATCCAGATCCCCGCGATAGATCTCAACCACGTTGGCAGTAATCACTCAAACGCAAATA  
CACCACCGATAGAATCCGAGAAGCTTCAGAGAAATTTGGGTTTTTCCAAGTATTAACCATGGGATTCCGGTG  
AGCGTTTTGGAAGGGGTGTATGACGCGGTTGGAAGATTTAACGAACAAGAAACAGAAATAAAGAAACAATAC  
TATTCTCGCGACTTCTCTAAGCCTTTATTTACATCAGCAATTTGATCTCTACTTTGCAAAAACCACTTGGGA  
GGGATACATTTAGATACGCAAGCGCCACAACCTCCCCAGGATCAGCAAGACATACCAGAAATTTGCAGAGACA  
TTCTGGTGTATTACTCAAACGATTGATGGAAATCGGGAAATTAATTTGAAATGTTATCGGAAGCACTGGG  
AGTGAATCCAAATTACTTGAACGATATAGGATGTAGCGAAGGGGTTTCACTTGCATGCCACTATTACCCGCCA  
TGCCACAGCCAAACTTGACCATCGGCACATCAGAGCACACCGACAATGATTTTATCACTGTTCTATATCAAGA  
TCACGTCGGCGGCCTACAGATTGTTACGAGAACATGGGGGGTGGAGGTTGCCCTGTGGACGGAGCTTTAG  
TGGTGAACATCGGAGATCTTATGCAGCCGACAACAAACGACAAATTCAAAGCGTTAAGCATAGAGTTGTTG  
CGCCAAATTGGATTCCAAAGACGCA

>trans\_c\_1109 XM\_002298026|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

CTTTTTCACAAAACAAACACCTCTTCACCCTCAGTTTTCTCATAATCTGACAAATCCAAGCAACCCATTACCTTC  
TCTCTCTTTTCCCTTATACAAACTACCCCTTTTGTTCTTCTCTCATGATCATCTTCTTTCTCTAATGGGCCTTAATT  
TCTCTGTTTTTTTCCGCCTCCATAATGGGTCTCAGCCACCGTCGTTGTCGCCGTTCCCCGGTCTCGGGGACCTAC  
CGGAGAGCTGTGCGGCGGATGTTTTGAAGTATTTGACTCCGGTGGAGATTTGTATTCTTGAAAGATGAATA  
GGGCTTTTCGCGGCGCGTCGTGGGCTGATTCGTTTGGGACTCTAAATTGCCCCCTAATTATAGGGTTCTTGTT  
CAACGACTGATTGGGGATGTTGGTTTGGTTATGAGTAAAAGAGAGATTTATACGAGACTTTGTCAGCTGAATC  
AATTAGATGGTGGAATAAGAATGTTTGGCTGGATAAATATTCAGGTGGTATTTGCTTATCGATTTCTTCTATG  
GATTTGAGGATTACTGGGATTGATTATCGGAGGTATTGGAATCGTATTTCCACCGAAGAATCGAGGTTCCAAA  
CTATTGCATATCTTCAGCAAATATGGTGGTTTGAAGTTGGTGGAGAGGTCGAGTTTCCGTTTCCACCAGGAAC  
TTACAGCCTATATTTAGGCTGCAATTGGGTCGGACATCAAAGAGGTTTGGCCGTCGAATCTATAACCTTGAG  
CACGTTTCATGGCTGGAATATAAAGCCCGTGAATTCCAGCTTTGGACTTCACATGGTCAGCATGCCAAACTC  
AATGCTATTTAGACGAAGCTGGGAAATGGACGCTACATCACGCAGGTAATTTCAACGTCGATGCTCGAAACG  
AATCGACAAGAATCAAATTCTCTATGACTCAGATTGACTGCACGCACATGAAAGGTGGCCTCTGTTTAGATTC  
GGTGCTGATTTTCCAGTCGAGTATAAACAGAGATCCAGCGTCGTTGACTCGTTTGGTCTGAATTTTGTCTATA  
GGTAGAGATTATTGTAGAAATATATAGCTGAATGAGGTTATGAAAGCTTCTCAAATGACTGGCTTTATTTTTTT  
CTAAGCCTATAGTTGTTTTTGTGGAAATGAGGCAATGCTTAATTACATAAATGATTGATTACTTAATTTTGT  
CGTTAATGTGTNAA

>trans\_c\_1110 NM\_111171|Arabidopsis thaliana aminoacyl-tRNA hydrolase (AT3G03010) mRNA,  
complete cds

AGGGGTGTCATTTTGGTTCACTCTCCACCCCCATTTCTCTTTTTCTTCATATCCCATCTGTGTCGCAGCCGCAG  
ATCGCCACCCTCCCCATAAACCCAACGCTTCTCTCCCTCACTCACTGCGGCAGCCACACCCACGCCAATTTCTCT  
CTTTCTTTGATTTCTTTATTCTCTCTTCATCTTCACCGTTGCCATTGCCGATTCTCAGCACGCCCTGCACTCAGTT  
TCTTTCTCCTTCTCTTCTCTCACTCTCTACTGCGATCTCACGCCGAATGCTTCTATCTCGAGGAGTTTTATTGCT  
AGAATTAGAATTTGGTATCTGGTCCAGGATTATTCTTGCTGGACTTCAGTAGTGGAGAAGTGCATTTTATAGA  
CTAAAATTGGATGGATCTGGCATGGTTGAGTGCCATTGTAGTTGGGGCCGGCTGCCTTGTTTTGGGATACTAT  
ATTGGTTCAAAATATCCTCCTCGGGTCTTTGTCAAAGCTAAATTAGCCAAAAGCAATGAATCAAGCAGAAATG  
GGAAGAAGAAGGATAAGACTAAAGAGCCACTGGAGGTCGAAAATTTGGCTGACATTCTCGATGACTTCAAGA  
TGGTCTTAGTTGTGAGAAATGATTTGAAAATGGGAAAAGGAAAAATCGCAGCCCAATGCAGTCATGCAACTTT  
GGGTCTCTATAAGAAGCTTCATTATCGTGCACCAAAAGCCTTGAACAGGTGGGAGATGTGTGCGCAGCCCAA  
GGTGGTCTGAAGATAGAAAGTGAGGAAGACATGCTAGTTTTGCAAGAGAGGGGCAAAATCATTGAAGCTACC  
AACTCATATTACTATTGATGCCGGAAGAACTCAGATTGCACCAATTCGAGAACGGTGATGGCAATTCTTGGT  
CCTGTTGAAGTGGTTGATGATGTAAGTGGTGGGTTGAACTTTTGTAGTTTCTGATTCATCGCCTGTTATCTCC  
CAAATCTCTTGAAGACTTCAGTTCTCAGAAGACTCTACTCTGCAAAATCCATCCATGCTTGACCAATTGCACG  
GTATGAAACCGATCTTAATGCGGAGCTGAGCTATTGACACTCAATACTATTTCCAATTTCTGATAAGGATAATG  
TTAACAGCGATAATCTAAGTTAACCTATTTATTATGAAATTTAGTATGATTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1111 NM\_001067507|Oryza sativa Japonica Group Os08g0141300 (Os08g0141300)  
mRNA, complete cds

CTCAACTCTTTTTCTTCACTTTAATTTTATTCTCTTCACTTCCGCTACTTCATATCTCTTTCTCTCTCCACCTTCTTG  
TCTTCCGCCTCCATCGAACTAAAAAGCGACCCCTCCTCCTCCTCCTCTTAACGGCCACCATCAACTGCCCTG  
GCTCCTCCTCCTCCTCAATCCGAACCTCAACGACGAGTTTCTTCCACTGTCCGATGCTCTGATTCACTCTCGGA  
GGTTTCAATGATGGCTGTTGAAGACCAAAAGTCAACGTCCGACGGAAAGGTCTGGGGTTTTTTGAAGCAAAC  
GTTTAGGCATTCCACTACCGGTGCTACTACTTCGTCTCGTACCTCTCATCAAACCTATCCGCCTGTGGACGGGA  
CGAATCCTCATACCTCCGCCTCTGTCTCCTCTGTTGCTAGGTGCTGCTTCCGACGCGGCTCGGCTCAAGCTT  
GATCCATCGAATAAGCTTTTCATTCTTATGAACCTGGCAAGCAGGTGAGGAGTGCCATTGGAATAAAAAACA  
CGAGCAAATCTTATGTTGCATTCAAGTTTCAAACAACCTGCACCAAAAAGCTGCTTCATGCGTCCTCCTGGTGCA  
ATTCTTGCCCCAGGAGAGAGCATCATAGCCACTGTTTTCAAGTTTGTGAGGTTCCCGAAAGCAACGAGAAAC  
CTGTGGATCAAAAGAACAACAGGGTTAAGTTTAAATTTATGAGCTTGAAGGTGAAAGGACAAATGGATTATG  
TGCCTGAACTGTTTGATGAGCAGAAGGACCAAGTGTCTATAGAACAGATATTGCGGGTTGTTTTCTGGATCC  
AGAACGTCCCAATGCAGCTTTAGAAAAATTGAAGCGCCAATTAGCGGAAGCCGATGCTGCACCTGAGGCACG  
CAAGAAACCACAGAGGAGTCTGGCCCCAAAATAATTGGCGAAGGGCTGGTTATAGACGAATGGAAAGAAC  
GGAGGGAAAGATATCTGGCAAAACAGCAAGTTGAAGGGGTAGATTCTGTATAGGTTTGGTTTCAGAGATTTT  
TTTTTTTTTTTTTTCTTCCGGCAATGGTTCTGTAATTTGAAAGGGATTTCAAATCAACTCTCGAGTATCGATT  
TACCCTTAAAAAGTCATGTAATCTTTTTCTTTTCGTATATTATCCAAAGTATTGTTTAGGTGAAGATGAACTTG  
TTTTATTTTCATTGAA

>trans\_c\_1112 FJ874630|Jatropha curcas allene oxide cyclase (aoc) mRNA, complete cds

AAACACTCTCTCTTCCATTTTCTATTTCATCCGAACACCAAAAAGCAGAGCTCTCGAAAATCTTCTCCCATGGCA  
ACTCTAAGAGTACTTTCCAGCTCTATTAGATTAGCCGGCGTAAATCCGAGTAATTCCTCTCTTAATCGGCCTGT  
TCCGTCAAGATTTCCGGTCCATTGTTCACTCAAAGCTCCAAACTCTTCTCCCCTTCCAAGAATCTGAGTTTCTCC  
GCTACTGGAAGATCGTTCTCTTCTCTACTCAAGCCAGTGCCTCTGATTCTCCAATCCAAGTGGTAGAGTTCA  
GGAATTATATGTTTATGAAATCAATGAAAGAGATCGTCAAAGTCTGCGTATCTTAGGTGAAGCAGAAGAAT

ACGAATGCGCTTGGTGATCTGGTTCCTTTCACTAACAACTATATACCGGAGATCTACAAAAACGGGTAGGAA  
TAACGTCGGGGCTATGCATATTGGTGCAAAACAAACCGGAGAAGAAAGGTGACCATTACGAGGCAATTTACA  
GCTTTTACTTCGGGGATTACGGTCACATAGCAGTTCAAGGTCCTTACCTCACCTACGAGGACACGTACCTTGCC  
GTGACTGGTGGGTCAGGTATCTTCGAAGGCGTTAGGGGTCAGGTTAAGTTACAACAAATCATATTCCTTTCA  
AACTCTTCTATACCTTTTACTTGAAGGACATTGGGGACTTGCCTCCGGAACCTTGTAGTCAAGCCCACTGAGCCC  
ACCCCGGCTGCTGAGCCCACACCTAATGCTAAGGCTTGTATCCTCATGCCACCATCTCTGGTTAACTGACTA  
AGGGTTTGGTACTTAATCCTACTTTCGGTTAGCCCTCTCGATTCTTTCTCAATCCATTCTATAAACCATATGTTT  
CTTTGTAGGGCGATGATAGATGTCTTAAGTATGATTTAATTTGGTTTGCAACTATACTATGTTCTTTTATGT  
TTTAGTTATGGTTTCGATTCTTGGCCTAGTTAGCTATGATATTTTCTCTCATATATGAATTGTAATTTTGTAGA  
CTATCAAGAGTGTTTATAGAGGTTGTAATTTAGTGTATAATAAAATTGTTTCACCAAGGTGAATTTAATT  
TAGTAATAATTGATAGGATCTTTACCATAAAGGAACCTTCTTTTACCGTACTAAAAATAAGATCGCTTGGTTA  
ACCTTTTGT

>trans\_c\_1113 NM\_115626|Arabidopsis thaliana NRPA1; DNA binding / DNA-directed RNA  
polymerase/ zinc ion binding (NRPA1) mRNA, complete cds

ACTGATGAGATGGATTATGAAGATGATTCAGAAGATGATCTTAATGCTAAAGAACCATCAACAGGATTTGAAA  
GTGAAGTTGATCAAGGTGATGAAGCTGAAATAACCAATAATGAGATTGAAATTGTGAAAGACAGTGCATCTG  
AGAATGAGCCTGAGATAGTAGATATCTCAAACCTCCGAGTCGAAAGAGAAAAACAACCGAAACATCGGAAAAGA  
AGAAGAAAAGTTAAATCAGAGTTCAACAGAAAGGACACTGATAGATCAATTTTGCAGAAGCTAAGGAAAATC  
ATTTTGAGGTTTCATTTTAAGTTTACGAATGAACCTCATATTTTACTGAGCCAGATCGCTCAAAGAGCTGCCCAA  
AAGGTGTCAATTCAAAGATCGGGCAAAATCATCCAATGTCAACAAATTACATGCAAGGAAGGTCAGGTAATAT  
ACCATGGGAACAATCTCAAGGAAAGAAAGAATCTCAAACCCGAAGAAAAGGAAAAAATTCCTGCACTACAAA  
CCAGTGGAGTTGACTTCAAGACGCTCTGGGAGATGCAAGATGAGCTTGATGTTAGATATATGTATTCCAATGA  
CATCCATGCCATGCTTCAAACATATGGAGTGGAAAGCTGCTAGGGCAACCATAATAAGAGAAAATTCAAAACATT  
TTCACCTCATATGGAATATCTGTCAATATTCGACATTTATCTCTTGTGCTGATTATATGACTCATTCTGGTGGG  
TACCGACCGATGAGTCGCCTAGGAGGCATATCTGATTCAATATCTCCTTTCAGTAGAATGACTTTTGAGACAGC  
TGGGAAGTTCATTGTTCAAGCTGCATTACATGGAGAGGTAGACAACCTGGAAACTCCATCTTCTAGGATCTGT  
CTTGTTTTGCCAGTAAAGATGGGTACAGGTAGCTTTGATTTGATGCAGCAAATTGCAGTCTGATACTTTTTGTC  
TCATTTCAATTTGGTCTTGCATTAGGGGGGAGAGAGAGAGTTTGGATGTAAATTTGGATGAAACAAAATTTG  
TATCAATAGCTTACTGTTGTATTAATATATAGAGCTTCTTATGTATAAATGAGTGTGCAATGATCTGTTAAGA  
AGTCTAAGAAAGTGGCTTAGAAATTTTGTCCCTTGAGAAATATTTGAACGAACTATTAATTGAATCTTTCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1114 X79004|N.tabacum eIF-4A8 mRNA

AGACCAACGCATTCTTCAAGCTGGTGTTTCATGTAGTTGTTGGTACACCTGGTCGTGTGTTTGATATGTTGCGTA  
GACAATCACTTCGCCCCGACTACATTCGGATGTTTGTATTGGATGAAGCTGATGAAATGCTTCTCGTATTTAA  
GGATCAGATTTATGATATCTCCAGCTTCTACCATCCAAGATTCAGGTAGGGGTGTTCTCTGCTACAATGCCTC  
CTGAAGCCCTTGAGATCACCAGAAAGTTCATGAACAAGCCTGTTAGAATTCTTGTTAAACGTGACGAGCTCAC  
CTTGGAAGGTATCAAGCAGTTCTATGTCAATGTTGACAAGGAAGACTGGAAGCTTGAGACACTCTGCGATCTT  
TACGAGACTTTGGCCATTACACAGAGTGTCTCTCGTCAATACTCGACGTAAAGTTGATTGGCTCACTGATAA  
GATGCGAAGCCGTGACCACACTGTATCTGCTACCCATGGTGACATGGACCAGAACACCCGAGATATTATTATG  
CGTGAGTTCCGTTCAAGTTCTTCTAGGGTTCTGATTACCACTGATCTGTTGGCCCGTGGTATTGATGTCCAGCA  
GGTTTCTCTTGTTATTAATATGATCTGCCGACACAACCGGAGAAGTACCTTCATCGTATTGGACGAAGTGGAC  
GATTTGGAAGAAAGGGTGTGCGATCAACTTTGTAACGACAGAGGACGAAAGAATGCTATTTGACATTCAGA

AGTTCTACAATGTGATAATTGAAGAGCTGCCAGCAAATGTTGCTGATCTTCTGTGAGAGAAGAGAAGAGAAG  
AGAAGAGAAGAGAAGGGTAATATTGTGGTAGACTGAGGCGTGTGGTTTTCTCCTTGAAGAACTTCAAAGCTT  
TTTTTATTTCGACCTCTTTTTATCATCTCTCTTTTTTTTTTTTTTTAGTGTCTTAAATTTAAATATCCTTGG  
AACCTATAATCTGACCTCGGGAAATGGTGTGGCCTGCACCACTGCAATATATAAGATTGTCAAATTACCTTTAT  
GGTAAATTATGGGCCTTTTTGTTTCTTGTGGGGTTTTGTAATGGATTAAAGTTTTTTTTGTTGCCTTATTTCC  
CTTTCCAAGTTATTAATAAAGAACAAAAAAAAAAAAAACTATGGTTGTCTTGAAGCAAACAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1115 NM\_001125690|Arabidopsis thaliana ATEXO70A1 (exocyst subunit EXO70 family  
protein A1); protein binding (ATEXO70A1) mRNA, complete cds

ATGCCACAAAACTGCGGTGTTGGATGGAAGTTCATCCTTTAAACAAGCTATGTGATCAATTACGTCAAATTT  
CTTTTGACTATCAAGCAACCTTGAAGCAACTTTCCAAGAATTTGAAGATAGCGGTCAAACAAATTCGGAATT  
GGCCAGTGTCACAATGCAAATAATGCAGGCTCTTCAGTCTAATTTGGATGGAAAATCTAAGCATTACAGGGAT  
CCTGCTTTGACTCACTTATTCCTCATGAACAACATACACTATATAGTTAGATCTGTTGCGAGATCTGAAGCCAA  
GATTTGCTGGGGGACGATTGGGTTCAGAGACATAGGAGGGTCGTACAACAACATGCAAATCAGTATAAAAG  
GAATGCTTGGTCAAAGATTCTGCAATGCCTCTCTGTTCAAGGGTTAACTTCATCTGGCGGTGGCAGTGTACCA  
GGCATAGATGGAGGAAATAGTAGCGGAGTTTCTAAGGCCCTTATTAAGACAGGTTCAAGACTTTCAATATGC  
AGTTTGAGGAACTGCATCAAAGACAATCTCAATGGGCAGTTCCTGATACTGAGTTGCGGGAGTCTCTAAGACT  
TTCGGTTGCTGAAGCTTACTTCCTGCATACAGATCCTTCCTGAAACGTTTCGGGCCACTGATTGATGGTGGAA  
AGAATCCCCAAAAGTACGTCAGATACCAGCCAGAGGATCTCGAAAGGATGCTGGGAGAATTTTTGAAGGGA  
AGAATGTGAATGAACCTAACGGTAAGATATGCAATTCTGCAGTCTCATTGGTGTCTAACGCCAAGATCGAT  
CGGCTTGGTGACTTACAGTCATTGCTCCAAGTTGCTGCCTGTTTCTGGAGGCTCAAATCTGAGGTTCTTCTT  
TTCATGAAGTTGGTGATGAGTTTTAGCATCCTTGCATAAATTACACTGTTGTCAGCACCTTGGCCTTTTTGATT  
CCCCCTCATGTGTTGGATGGTTTGTCTCTAATATTATTTTCTACAATGTATATATAGGAACTATGTGAAGTTA  
AATAGTATTCTTTTCTTTTCTTCTTCCCTGTATCCCTTGTGAAAATGTCATTATGATTAATATCAAGCTCTCA  
AGGATGTTTTGTTTTTCTTCAATTATTTTTAATACCATTATTATTATTATTCTTTACAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1116 NM\_001061024|Oryza sativa Japonica Group Os05g0120100 (Os05g0120100)  
mRNA, complete cds

ATTTTTGCGAAAGACGTAAAATTTAGGGTTTCGCATCCTTATTGTTTCCAGATAAAATGCCTCGCTATGACGAT  
CGTTACGGCGGTACTCGGCTCTACGTTGGGCGCCTGTCTTACGTACGAGGTCCCGTGATCTGGATGACCTGT  
TCAGTCGTTATGGAAGAGTACGCGATGTGGATATGAAGCGAGACTATGCATTTGTTGAGTTTAGTGATCCCCG  
TGATGCTGACGATGCAAGATATAGTTTGAATGGGCGGGATGTCCATGGAAGTCAATCATTGTGGAAATAGC  
TAAAGGGGTACCTCGTGGTCCTGGTGGATCCCGTGAGTATCTTGGTCGAGGTCCTCCAGGAACTGGCCGTTGT  
TTCAATTGTGGGATCGATGGCCACTGGGCGAGAGATTGCAAGGCTGGAGATTGGAAAAATAAATGTTATCGA  
TGCGGCGAACGGGGTCACATAGAGAAGAATTGCCAGAACAGTCCCAAGAAGTTGAAGCGTGGAAGTTACTC  
ACGTTACCAAGCCCTCGCCGTGGTAGAAGCCGCAGTCGTAGTTATAGCAGAGGTCGAAGCTACAGTCGATCT  
AGATCTCCTGTAAAAAGAGATAGAAGCCTTGAGCGATCAGATAAAAGATCAAGGAGCCCAAGAGGCAGATCA  
AGCCCAAGAGGCACAGTTTGTACCTCCTCCAAAAGCTATGAAACGTAGCCCAACTCCTGATGAAAGAAGTC  
CAGAAGAAGATGCAAGACGCAGTCTGTCCCAGGAAATCGTGACAGCCGCAGTCCTAGAGGTAGAAGCAGA  
AGCCCAAGAGGAAGGAGCAGGAGTCCAATGGATGAAGGTGAGGACTTCAACGGTGGTGGAAATAGAAATTA  
TCGAAGGGAAGAAAACGGATACAGTCGCAGCCCCAGCCGTTGCCTAGAGAAGAAAGGAGTCCTGTAAACG  
ACGAAGATAACAACGGTTCTCCAAGGGGTGGCAGTGAATCTGCATAATAGAGAGTTCCTATTTTGCTTCTGC

TTAAACACATGCGTTTTCGTTGGAATTTTATAAGAGAGACTTAAATAGTGTATTGTGATTGAATCCCTCCTCAA  
ATGTTTCATCAGCACCGTATTTTTCTATTTATAATTCAGCTAAATTATGATAAATTATATATAATAATCTGTTTC  
TTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1117 EU624138|Medicago sativa zinc finger protein mRNA, complete cds

CAACTAATATGATGGTCTCATTGCGTGGTTCTCCTATTTATCCAACCGTACAATCACCAACTCCTGGTCAGCAAT  
CATATCCAGGAGGAAGTACAAATTGGTCTAGGGCTTCATTTATCCCAGTCCACGATGGTAAGGTCCTTCCAGT  
TATGCATCTTTAATATTACCTCAGGGAGTCTTTCTGTTCCAGGTTGGAATGCATTCAATGATCAGCTAGGATC  
GGTTTCGTCTTCAGAAAGTCCACAACAAACGAGGGAGAATGTATTCCTGAGAGGCCTGGCCAGCCTGAATGT  
CAGTTTTACATGAAGACTGGAGATTGCAAGTTCGGTGCTGTTTGTGCGATTCATCACCCAGAGAAAAGAGTAC  
TTCCTGCTCCAGATTGTGTCTTGAGTCCAATAGGCCTGCCATTACGTCCGGGAGAACCTTTGTGCATCTTTTATT  
CTCGTTATGGGATCTGTAAGTTTGGTCCAAGCTGCAAGTTTGATCACCTATGGGAATCTTCACATACAATCTC  
TCAGCAGCATCATCAGCCAACGCCCCGGTTCAGCATTTGTTTGGGACGTCTTCGGGAACAACCTGCACTAAACC  
TATCATCTGAGGGGCTAGTCGAAGCAGGATCTGCAAAGCCAAGGCGGCTATCAATCTCGGAGACTCGAGAAA  
TGCCATCTGACGATGAAAATGATGCCGAGGGCTGAAAGGATGCAGCTCCTCCAATTTACCCCTTTTACAATCTT  
TTGGAAGATAAAAAAAGAGATGAAGAGCTATTTGTAAATGATTATATGTCTTTGCCTTGCTGGAAGGAAAAA  
GATGTACAGGAGGGTTCATGTAAAGTTGATCCTGTTTTTCTGAAAACGCATTTTCAGATGGCAGCAGATTAATT  
CCCCTGAATTTTACTTTTTATTTTTATTTTTTTAATGTTTTTCTGCATTGTATAAAAAGATCTGCAGATGATGTCT  
CAGTTTTTCTTCTTTCACCTTTGGTAAAAACAATTCATGAAGTACTCATTTGTCCCAAATCTTCTGATATTT  
GGGATTTTAATATTCTTGTAAGAGACGCTTGCAATTTCCCCCAAATTTTGATGGCCTTTTGGCTCTTCAATCAA  
TGAATAATCATGTTTCATGATGCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1118 NM\_001036454|Arabidopsis thaliana nucleolar protein gar2-related (AT2G42320)  
mRNA, complete cds

TTCTCAGTCCCGGAAGGCTCATGCTGCTAGAAAGTGTGTTTCTGGATTTGTTTTGATTGCAAAAGCTTGTGGAA  
ATGACGTGCCCAGATTGACTTTCTGGTTATCAAATTCATAGTCTGAGAACAATCATAAGTCAGAATGCTGTG  
AGCTTGAAAATGCAAGTTATTTCTGGATCTCATTCAAGCAAAAATGGTGCCAACAAAGAAAGTAGTAAAGCAG  
CGTCTGCACTGAAATGGAAAGTGTGCTCTCCAAACAAAAGAGAGAATGGAAGTACCAAACATGGAAGTTCTG  
GTGACTGGGAAAACGTACAGACTTTTACATCTGCATTAGAGAAGGTTGAGGCTTGGATCTTCTCCGAATCAT  
TGAGTCCATCTGGTGGCAGACATTGACTCCACATATGCAGTCGGCAACAGCAAAAACAATCAATCAAGTTTCA  
AATTCACCTCAGGGAAGAGCTATAAGAGAAATTCTAGTTTCAGTTGATCATGATCAAGGGAACCTTTCTGTTGG  
ACCTTTGGAAGAAAGCTTTCAAGGACGCCTGTGAAAGAATTTGTCCTGTGAGAGCTGGAGGGCAGGAGTGTG  
GTTGCTTGCTCTTCTGTCTAAATTGATAATGGAGCAATGTGTCACTAGATTGGATACAGCAATGTTCAATGCC  
ATTCTTCGTGATTCTGCTGATGAGATGCCAACTGATCCTGTGTCTGACCCATTAGTGAGTCTAAAGTTCTCCC  
AATTCTGGTCGGGAAATCGAGTTTTGGAGCTGGCGCACTACTTAAGAATGCAATTGGAAAATGGTCGAGGTG  
GTTGACTGATCTTTTCGGCTTGGATGACGAAGATCAATGCGAGGATGAAAATGACAACACAGAAGGGGAAAGA  
TGCTTCTACCCTCAAGTCCTTCATCTACTAAATGCATTGAGCGATCTCATGATGCTTCTAAGGACATGCTCCT  
CAGCCAATCGATAAGAAAAGAGGTATGCCCTTCGTTTGTAGTGACCCAGTAATCAAGAGAATTCTTGACCATTTT  
GTTCTGACGAGTTTTGCGAAGACCCAATCCCTGATGCTGTTCTTGAAGCTCTGGATATCGAGGAGGACCCAT  
CTGAAGTCGATGACAAATTTGTGATGAGTCTCCACACACCGCAGCCGCCGTAACCTATCACCCACCATCAGCA  
GCTTCTGTAGCAGCATTTCATTGGC

>trans\_c\_1119 AF414129|Musa acuminata submergence induced protein-like protein mRNA,  
partial cds

>trans\_c\_1120 XM\_002889819|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata partner of Y14-mago (PYM), mRNA

>trans\_c\_1121 L42328|Spinacia oleracea nuclear-encoded chloroplast ribulose-5-phosphate 3-epimerase mRNA, complete cds

GTCTCTACATTATTCATGCTGGAGGGAACGAAAAGGGAAGAACAATTATCATTCTTGAATCCTTACCTAATC  
TTCTAAACCCAGGACAGGGTCTTCAGCGGAAC TCCAAATGGCTGTTGCTTCATTATGTCAATCCACTATGCA  
ATCCCAAGTCAGTGGGTTTGTCGGAGGGCGCACTTTTCAGAAACCACCTAACTCTCAACCTTCATCTCTTACCTT  
TTCGAGGAGAAGGTT CAGAAATGTGGTGAAAGCTTCAGCTCGGGTTGATAGATACTCCAAATCTGACATCATC  
GTCTCTCCCTCAATCCTCTCTGCCAACTTTGCCAAATTGGGGGAGCAGGTGAAAGCAGTCGAACTGGCCGGTT



GTGATTGGATTCATGTTGACGTAATGGACGGCCGTTTTGTTCCAAATATCACAATTGGACCTCTTGTTGTTGAT  
GCTCTACGACCTGTGACAGATCTTCCTTTAGATGTGCATTTGATGATTGTGGAGCCCCGAGCAGCGTGTCCGG  
ACTTTATAAAGGCTGGTGCCGATATTGTCAGTGTTCAATTGTGAGCAATCTCCACAATCCATCTGCATCGCACC  
GTTAATCAAATAAAAAAGTCTTGAGCTAAAGCTGGAGTGGTCTTAAATCCTGCTACTTCACTCAGCACAAATAG  
AATACGTCCTTGACGTGGTTGATTTGGTCTTAATCATGTCGGTGAATCCTGGTTTTGGTGGCAAAGCTTTATT  
GAGAGCCAAGTAAAGAAAATTTAGATTAAAGAAGATTATGTGCTGAAAAGGGAGTGAACCCATGGATCGAA  
GTGGATGGTGGAGTCGGTCCAGCCAACGCATACAAGGTCATCGAGGCTGGAGCCAATGCTTTAGTTGCCGGT  
TCTGCTGTTTTTGGAGCCAAAATATGCTGAGGCCATAAAAGGAATCAAACAAGCAAAGGCCGGAAGCA  
GTTCCAGTATGAAAGTGACTTGTACAAGATCTGAGTTGTTTCAACTGATAGTATTATTGTGTTATTCATCCCCAT  
AGAGAACTCCAACGTCACAGGTAGCAGAACATTGTGTTCTTGAAGCTCTTATCTCAACCATGGTTACCACCTC  
CACAGTTTTATTCTTGTGAACCGAATAATGTAGATTGCCGCTTGAGATTTTGTATGTACTATAACATCCCAGT  
ATAAATTTGAGTACAAA

>trans\_c\_1122 BT025765|Arabidopsis thaliana At2g04340 mRNA, complete cds

AAGGGAAAAAATTAGAATAATATTCAGTTAGAGATGACAGGATTTGGGCATGGACTGCGTGTAATTGGGAGA  
CAGGTGCATCTCCTTAAGCAACGTGAAGGTCCATCAGAGGTTCTAAGGGGAAAGATCGCAGAGCTGGAGAAA  
TTTAGGAAGAGGAAGAAAAGTATGAAGAAGGACCAGTTCATTGTGGACGTTCTGAATCAAATTCCTCCTCG  
ACACTCCTTCTATGCCCATGATTCTCACTGCTGTTGGAATTGCTCTCTTTGCTAAACTCCTTATGATGTATGATG  
AGTCAAGATCTGAAGAGTTGATAGAGCGCAAATAAAGAATGCTCCCCAGGTCAAGGAACTGTGAGGATGC  
TTAGTCGTGAGGAGTGGGAGGAAATTCGAGAAGTTTCGACCAAGGACTCCATTCAATCGAAGCTTGCTCGTC  
CAAATGCAAGAATCAGAACTGGAGAACCTTTACACATGGAAGATTTGAAGGACTGGACAGTTGATGTGGTGT  
CGAATGCACTCACTCGGGCTGAAGAGAGTGTTAGGCATGGTTCCACTTCCAAGTGACTTTAGAGAAGGGAAC  
TGTCTCCAAGATTTGGAGATTTTCAGACTCACTCTGAACTGGTGTGTTTGGGACTAACTCCTGAAAATGTGCTTT  
GAAGGATGGTTAGTTAACGCATTTTCAGAACTTAGCTTGTTTCTATGCTTGATCTGATATTCATCATGTAGGTTT  
ATGCTTCTCCTATTTGATATTCTATGTGGAGGACAATCAGGCAGTGATGGGTCAGGATAGAGAAAGTAGGTAA  
TAAATTTGTGACTGAATAGCGAATTGGTGGTGGAAAAGCTTGGATAGTGGTGGATGGTTTATGCAATTCCTTA  
AACGAGGGGTTTTTGGCGGCAGAAACAGTTGTGATCGTCCTATTATTTGTATCTTTGTAAACATGATAACCT  
AGAATGAGAAATTTGAATTTTTGACCTCTAGAATGGAGGGAGGGTGTATGTATATATTTTTACCATTTGTTGTA  
TTTGGAAAATTTATTTCTTTGTTTCTACTCACAAACAGCTAGTTTATAAAAACTATGGTTAATTCGTAATTTGAC  
CATAGGAATTTTAACTCATGAAATGAATCCCTGTCAAATTGGTCTCTTTTTGAGATCTTAAAGCTTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1123 NM\_129462|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein  
(AT2G39050) mRNA, complete cds

GGACCTGAAGAACCCCAAGGATCGGGAAAAAAAAAATGGCCTTCCCTTTTACCACCACCACCACCACCACC  
GCCATGACGACGATGAAGACGCCGAACCTCCTTATCCTCCACCGGACACAGGCCGCCATACTCCGATCCACC  
GCCCCACTGGTTCCTCCACATCCACCACCACACTCACTACGGCGAGGCTCCTCCGCCGCTCCACCGTCTTACG  
TTGGCTACGAGTCCAATTTCCCTCCGGAGCCGCCCGTTCCCGACTACGGATACTCCTCCGGACCCCTCCTCCG  
GTCGTGCACCACCCTCTCACAATCCACACTCTCCACTGTTATTCACCAACACTCTCATCACTCCGATTCTCCCT  
TCTCCAACAGACCAACGGTCAAGGTCTACGCCAAAGCAAACCTAATTTCTCTCTTGCCATCCGCGACGGCAA  
GGTCGTCTCTGTTCTTCCGATCCAGACGATCCCGCTCAACACTGGTTCAAAGATGAGAAATACAGTACAAGG  
ATTAAGGATGAGGAAGGATGTCCCTGCTTTGCTCTGGTGAATAAGGCCACCGGTCAGGCGATGAAACATTCC  
GTTGGAGCTTCTCATCCGGTTCAGTTGACACGCTACGATCCAAATGTTGTGGACGAGTCTGTACTGTGGACAC  
AGAGCAAGGAATTTGGGGAAGGATACAGAGCCATAAGAATGGTGAATAACGTTCACTTGAATGTTGATGCCT

TTCATGGAGACAAATATTCTGGTGGAAATTCATGACGGCACGCACATTGTTTTGTGGAAATGGAAGGAAGGAG  
AAAACCAACTGTGGAAGATCGTACCCTACTGAGGATGTGATGAAATGAAGGGGATGCTATGGTATGCAATGG  
AGTGTTGTAATAATGTCATGTTGAGAATAAAGGTATTCTCGTGGATTTGAGAAAAACCATATTTGTAGTTCATG  
AAAAATTGAAAGTGTGTGGAGGCATCAATCAATATGTTTTGTGCTTTAGATTTAGCTTTAGCAATTAGCATCAT  
TTGATTTGGATGGCTTTTACTTTCCACTCACAATATCCGCAGCTATTTTTATGGATCCCTTCATTCAACAAAAC  
TTCTGTAAAAATATGTATCTTCTTCTGTTCCATTTGATGGTAATGATAGTAATTATATTATGTCCGCCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1124 NM\_121923|Arabidopsis thaliana ECR1 (E1 C-terminal related 1); NEDD8 activating  
enzyme/ protein heterodimerization/ small protein activating enzyme (ECR1) mRNA, complete cds

GGACTTTCACATCTCTTCCACAATCCAACCCGAAGTAGCAAAGTGCCACTGCGGTTGAGGGCGCTGCGATTCA  
ACAAACGGCGACTCAGTCCTGCGTGATAACCAAGCTACTTCCACTCTTCCACCCAACGCCCATTTCTCTACCAC  
CGGAAACCCCTTTTACCTCTTCTCCCTTCTCTTTATACTCCCAACAATTGCCTCCGGCAGTCCAGAGTCGGC  
GCTGTAAGGCATTCAAATGGCGGGCTCTGTCGTCCAATCCAGTCGATCGAGGGACCTCGATAAGCTCCTTCTT  
AGGCCCCGTAATCTCATCGGCGCCAATTCGAGCCGGGTTCTCAATTGAGGGACGACCTTCAACAGTATGTGA  
AAGTGTGGTCATAGGAGCTGGGGGGTGGGCTGCGAGCTCCTCAAAGACTTGGCTTTGTGGGTTTTCGGA  
ATCTGGAAGTCATTGACATGGATCGCATCGAAGTTACTAATCTCAATCGTCAGTTTCTTTCAGGCTTGAAGAT  
GTTGGTAAGCCAAAAGCTGAGGTGGCTGCAAACGTGTTATGGAGAGAGTTAGTGGTGTCAATATTCTGCCA  
CATTTTTGCCGATTGAGGACAAAGAAATTGAATTTTACAATGATTTTCACATAATAGCACTTGGTCTTGATTC  
AATTGAAGCTCGAAGTTACATCAATTCTGTTGCTTGTAGCTTCCTTGAGTATGATTCTGATGATAATCCATTAGA  
AGAAACAATTAAACCAATGGTAGATGGTGGAAGTGAAGGCTTCAAGGGGCATGCAAGGGTAATTTTACCAGG  
GGTCACACCTTGCTTTGAGTGTACCATCTGGCTTTTTCCCCCTCAAGTAAAGTTTCCATTATGTACTCTAGCAGA  
AACTCCTAGAACTGCTGCTCATTGTATCGAGTATGCTCATCTAATTAATGGGATGAGGTTCATAGTGGA  
GCTTTTGATCCTGATGATTCTGAACACATGAAATGGGTCTACAGTGAGGCTCTTAAGAGGGCTGAGCTTTTTG  
GCATTCCGGGAGTTACATATCACTAACTCAGGGTGTGTTAAGAATATCATACCTGCTATTGCTTCCACCAAT  
GCAATTATATCAGCTGCATGTGCACTGGAAACGTTGAAGATTGTATCANGATGCAGCAAACTCTATCCA  
ACTTAACATATAATGGT

>trans\_c\_1125 NM\_129431|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT2G38740) mRNA, complete cds

AAAGTAAAAACAAGTCGCATCTGTGAGTTAGTCGCTGGTGGGTTCTCGTCCTCATGCTCCATACACCTTTATA  
AACCTCCCATTGCTTGTCTTCCAATACCCATCTCCATTTTTCCCGGTTCCAATACCCATTTATAAATTTCCC  
ACATTTGAACACAAGCTTTCATCAATATCTGCCCACGATGACGGCTTCAAAGATGAAATTTAGTTGACAGCA  
AAAGCTCTCTTGCCGCACTTGACCTGCGGAAGCAGTTCTATTCGACGTAGATGGAACATTGTGTGATTGGA  
TCCGCTTCATTACTATGCCTTCCGTGAAATGCTTCAGGAGATTGGTTACAATGGTGGGGTTCCAATTGATGAG  
GAGTTTTTCATTAATAAATGTTGCCGGCAAACATAATGATGATATTGCCCGAGCATTGTTCCCTGATGATTTG  
AAGAGGTTTGAAATTTTGCGATGAGAAGGAGGCTATGTTTAGGAGATTGGTCACCGAACAATTAAGCCAGT  
GAATGGCTTGATAAAGTGACGAAATGGATAGAAGACCGTGATTGAAACGTGCTGCAGTTACAAATGCCCC  
TCGGCCGAATGCTGAGCTTATGATCTCAATACTTGGTCTTAAGGATTTTTTGGAGGCTATCATCATAGGAGGT  
AATGTAAACATGCCAAACCACATCCAGAACCATATCTAAAGGCTTTGGAAGTACTCAAAGTGTCAAAGGAACA  
CACTTTCATTTTGAGGATTCTGTATCAGGGATCAAAGCTGGAGTGGCAGCCGAGATGCCTGTCGTCGGTATA  
GCAACGAGAAATCCCGAGCAATTGTTGATGCAAGCAAAGCCTACCCTTGTCGTAAAGGACTACGATGATCCG  
AAATTGTGGGCAGCTTTGGACGAACTCGATAAGAGAGGAGGTACCGTTAAGAATGCATGATCATCGATGCAT  
CATATTGATGAATTATTCTATCAATTCATTGCTACTCTCTATCTAATACTTTGAATAACTTAGCTGTAGAAATAA

ACCTGTCATTCTTCAGCCTTGGCTCTTAATACCAATCCTAATACAATCAAATAAGATGGTTAATAGATTAGGG  
AAAGTCATTGGAAGGCCTATCGAACATATACAAGATTGCCACTATCAATTTTATTTTCTCCAGTGATATATTAC  
TTGTTGCTTTCCATGT

>trans\_c\_1126 BT014967|*Arabidopsis thaliana* At1g64880 gene, complete cds

AGCCGCACGCCCCATCGGCAGCTTCCTTCTCTCCTATCAGTATCTCCATTGCTTCCCAACGCCACCACACTCATC  
AACCTTCCATCCCCCTGCTTCCCATCTCTTCTCCTCAGCTGCTTCCGCCGCCGCCGCCGCACTCCACCACACC  
CACAACCTAATGTCGTTTTCTAGGAAAAGTTCATGCTTCAGCAGAAATTAATAGGGCTATGCGAATTGTGGA  
GTGGAAGGAAGCTTATGACCCAAATGATCCTGCCAACTATGGAGCCATTCAACGCAGACAATGAGGTCCATC  
AGTTAATCTTGAGGAACAATCAGAATTTGCAAAACAGAAGCGAACCATACAGGGGATTGATGATGATGATGA  
GGAAGAGTTTGATGACGTGAAAGAAAGGGATGATATACTACTGGAGAAGCTCAATGCTATAGATAAGAACT  
CGAAGAGAAGCTAGCAGAGCTGGATCATACCTTTGGAAAGAAAGGAAAGGTTCTAGAAGAGGAAATCCGAG  
ATCTTGCGAGGAGAGAACTCGTTAACTGAGAAGAAGAGAAGGCCACTTTATCGAAAAGGCTTTGATGTGAA  
ATTAATTGATGTGAACAGAACTTGTAAGTTACAAAGGGAGGAAAAGTTGTCAAATACACTGCTATCTTGGCT  
TGTGGGAACTACCATGGCATTGTTGGTTATGCAACAGCCAAAGGACCGGCAGTCCCGATTGCTTTACAAAAGG  
CGTATGACAAATGTTTCCAAAATCTTCATTACGTGGAACGGCATGAGGAGCACACAATTGCACATGCAGTACA  
GACGGCATAACAAGAAAAAAAAGGCATATCTTTGGCCAGCATCACTACCACAGGCATGAAAGCAGGGAAAAAC  
TGTTCAAACCTGTTTTGAATCTGGCTGGTTTTAAAAACGTCAAATCTAAGGTTGTTGGCTCAAGAAAACCCCTGA  
ACACTATGAGGGCCCTCTTCAAAGCTCTAAATGCAATTGAGACTCCGAAGGATATTCAAGAAAAGTTCCGACG  
GACCGTTGTTGAGAAGTACTTGCTATGATAGGAGGTTTTCTTTTCTCTTTCTTTTCTTTTCTAATTCACAAGT  
TGCCGATTCTCAAGTAGATATACAAAAGGAATTTGGTATTTAAGTTAAGACGTCGAGGCTGTAACCTCTGTT  
AAAGGTTTGATCGTCTCCCTTCT

>trans\_c\_1127 AF020553|*Glycine max* ribosome-associated protein p40 mRNA, complete cds

CTCCCCAGCCGTTCTTCTCTCTTTCTCCTTCAAATTCGCTATTTTGCAAACCCTAACGAAGTTCCGGCCATGGC  
GACTACAACGGCTCCACGTCAACTCTCGCAGAAGGAGGCCGACATTGATGATGTTGGCGGCTGAGGTTCA  
TCTTGGCACTAAGAACTGTGACTTCCAAATGGAACGTTACGTTTTCAAGCGCCGCAACGATGGAATCTACATTA  
TTAACCTGGGTAAGACATGGGAGAACTTCAGCTGGCTGCCAGAGTCATTGTGGGTATTGAGAATCCACAAG  
ACATCATTGTTGAGTCTGCAAGACCTTATGGTCAGAGGGCTGTCTTAAAGTTTGCTCAGCACACTGGTGCGCAT  
GCTATAGCCGGAAGGCACACCCCTGGAACCTTCACCAACCAGCTTCAGACCTCATTCAATGAGCCACGTCTTCT  
GATACTGACTGATCCTAGAACTGATCATCAGCCTATCAAGGAAGCTGCCCTTGAAACATTCCTACAATTGCCT  
TCTGTGACACTGATTCACCAATGCGGTATGTTGATATTGGGATCCAGCAAACAACAAGGGGAAACATAGCAT  
AGGATGTCTCTTCTGGCTTTTGCAAGGATGGTTTTGCAGATGCGTGGAATATTCGTGCAGGGCATCAATGG  
GATGTGATGGTGGATTTGTTTTTTATCGGGAGCCTGAGGAGGCTAAGGAGAAAGAGGAAGAAGAGGCTGT  
TGCACCCCCAGATTATGGCATTGCAGATTATGGTGGTGCTCCGCTTGTTGCTTCAGATCAATGGGCTGGGCAA  
ATTTCTGATGCACAGTGGGGGTGCTCCTGATTTGATTCCAGCACCAGATGCTGCTGTAGTTGTTCCACCTGTTT  
CGAATGTCGAGTGGACCCAAGAGCCAGTTGCTTTAGCTTCAGATGGATGGGATGCTGCAGTACCACCACCAG  
CACCTGCAGCAGAAGGTGGCGCCCCAGCTGCCAGTTGGTTTTAAGGGGTGGTTCATGAGAATTTGATTAATC  
GTTTTAGAGTTTGCTTGTTTATGTAGGGGTTCACCTTTTTTGGTTGCAAACCTTCACTTGCTTTTCCCTCATAGT  
CTACTTTTAGATTTGAGATTGAAATTTTGAATTTTGGTGTCTGGTACAATTTTTTGGGATATAAGAGA  
AATTACTTGCCTAGACT

>trans\_c\_1128 AF180292|*Medicago truncatula* MTD1 mRNA, complete cds

TTCACAAATCCATAATTTTCTACATTTAAATTCTTGTCCCTTCCCCTCTACACAATCTCTCCACTCCCATGGATATA  
TGAATCCAAAACCTATATCTATTAATCTCATCTTCATTTGAAAACCTGTTATCTTTTTGGTTTAATCTATCTTGTTCCT  
TCTCTCTTGGATTCAATCATTCAAGTTATGTCAATTGCTCTGGAAAGCAATACCAGGATCCCCCTCCGTTTTT  
CTCAAGCTGGCTTGCCCCGTACTGCTCTGTCTTGAATACGACCGGAATTATCCCGTAGTTGGCGGGAGGC  
GGCCGTTGCTGATGCGGTGGCGCCGGAGGATGTGGATAGATGTAGTTCGTCTTCATCGTCCTCGATCGGAGA  
AAACAGTGGTTTCTCTGTACGGTCATCGGATAATGACGATGGAGAGGATAACGAGGCGGAAAGTTCGTATAG  
AGGACCTCTAGGAATGGAGTCGTTGGAAGAAGTTTTGCCTATCAGGAGAGGAATTTCAAATTTCTACAACGG  
GAAATCGAAATCCTTCACAAGCCTAGCAGACGCTTCTCCTCTTCCCTCATTAAAGAAATAGCGAAGCCTGAAA  
ACGCTTTCTCTCGAAAACGGAGAAACCTTCTTGCATCTAATCTAATCGCCGGCGGCATATCAAAACGTCCGATT  
ATTAGTTCAAGTCGAAGCTCGTTAGCGTTGGCCGTCGTCCTGAGCAGTTCTGAAAGCCACAAAAATAACGATC  
TAAATTCATAATACTCCGCCGACGCCGATTCTGCTCTCATTGCACCCCAACGGACGAGCATCTCGTATCAAT  
TCAGGTTCTGCAGTTCCATCTCTGTAAATTCGCGACTTGGCGATCATACTCCATGGCCAACATACAGTAGCG  
TAAGAGAAGGGTTTTACCATGGCGTCCATGGAAGCTAAATCACCATGAAAGACGACTAACTTGACCTTGTA  
ACCGAGTTTCATCGAATCGGTTTCTGACGAATAACTCATTTCTTTCAAATTGTCCACGATCTTAGTAACTCTGT  
TTTGATTTCTTTTTGTATGTATGTAAATTGAAAAGAGAAAACGCATAGCAGTTCATTTTTGAATCGAAATCTG  
TTTGTATAGAATTTGAATTAGCAAATGGAGAGAGTACGAGAGAGTTTCTTTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_1129 NM\_111635|Arabidopsis thaliana DNA binding (AT3G07565) mRNA, complete cds

TTGACACTTTCCGACGTCAAACCTCCAAACCCTCTCTCCAATTGCTGTATACACAGACATCGGTCTCATTTCTCT  
CTCTATTTTTCTGCAACTTTCTTTAGTTTATTTTCTTCTTTACCCGAGCTCCCTTCAGTCTTAATCCGTACAAATCT  
TCCACTCTCATTTTCCCTCCTTTTTTGTATTTTTTTATTTTTTTTTCTGTTTCTTCATTGATTGACCATCTATCTC  
AATTTTCATTTGAGGTTTTGTTGAGTCGTTTTCTTATGGGTTTCATTGATTTTTGTTGAAAGAATCTGAATTG  
GCGGGAGCCAACGGTCAATTATGTGGTTTTAGGAGGTGGGTGGTGATTGGATTTGGATTTGGGATTGGAAAA  
CGTTTGAATTGTTGTGAGTTTTGATGGCTAACCCATCTGGGAACCATCAAGAAGCTGGCCAACCGTCGTCTTCC  
TTCGATGGAGGGAACCCAGCAACGGTAATTCGACACCTGTGCCTGCAGCGGATAATTCGAGTTCGGCTCTTG  
CTATGAAGCATAACCCAGGTATCTCTACGGATTGGACATCTGATGAGCAGGTCACACTGGAAGAAGGGCTTA  
AGAAATATGCCGCAGAGTCTAGTGTTATTCGGTATGCCAAGATTGCAATGCAACTACCAAATAAGACTGTACG  
AGATGTTGCTTTGCGTTGCAGATGGATGAATAAAAAGGAAAATAGCAAGAGAAGGAAGGAAGAACAACAATT  
TAACAAGAAAGAACAAAGATAAAAAGGAAAGAGTATCTGACTCTTCAATGAAGTCAGCACAGGTTGCAGCAA  
GGCCTAATGTGCCTCCTTATGGAATGCCTATGATTCCTATGGACAATGATGACGGTGTCTCATATAAAGCTATT  
GGTGGTACAACCTGGAGAGCTTCTTGAACAGAATGCACATGCAATGAATCAAATTTCTTCTAATCTTGCATCTTT  
TCAGATACAAGATAATATCAGTCTCTTCTGCCAAACGCGGGACAACATCCTCAAATAATGAACGACTTAAAT  
GAAATGCCGGAAGTAATGAAGCAGATGCCACCTCTCCGGTGAAGGTGAACGAAGAGTTAGCGAACACGATC  
CTTCGCCGACTTCTCATTCTTGCAATCATGAAAAATCTTCAACAAAACTGGTTCAGCAAAAACACAGAACT  
CCCTTTCAATTC

>trans\_c\_1130 DQ118107|Populus tomentosa plastid division regulator MinD mRNA, complete cds;  
nuclear gene for plastid product

CTAATTCCTACATTTGAAGGCAATGCGAAGCCTTCATCTTCTTCCCAATCCATTCTTCTGCAATTCCTTCCATTCC  
AAGACCCTAACATCCCCAATCCCTAACCTAAATTCCTCCCCAATCTCCTTCTTACCCCCGATTAAATCCGTCC  
TTCAATGGAATCGGAAGCCCGAGCTTGCCGGTGACACTCCCCGCGTCGTCGTCATCACCTCCGGCAAAGGTGG  
CGTTGGAAAAACAACCACCACTGCTAATGTGGCATTTCTTGGCCCGTCTTGGGTTCTCTGTGGTAGCCATTG  
ATGCGGATGTTGGCCTCCGAAATCTCGACCTTCTATTAGGGCTTGAGAATCGTGTTAATTACAGGTTGTTGA

GGTTTTAAATGGGGATTGTCGGTTGGACCAGGCTTTAGTGAGGGATAAACGATGGTCAAACCTTTGAATTGCTT  
TGTATTTCTAAACCTAGGTGCGAAATTGCCGATTGGTTTTGGTGGGAAAGCCTTGGTTTGGCTTGTGGATGCGTT  
GAAAGCTAGGCAAGAAGGTTGCCTGATTTCATTATTATCGATTGTCCTGCTGGAATTGACGCTGGTTTCATTA  
CCGCCATTACACCAGCTAATGAGGCAATTCTTGTGACCACACCGGATATCACGAGCTTGAGAGACGCCGACAG  
GGTGACTGGTTTGTCTGAATGTGATGGCATTGGGACATTAAGATGATGGTGAATCGCGTTCGGACTGATAT  
GATCAAAGGGGAGGATATGATGTCTGTGCTAGACGTACAAGAGATGTTGGGATTGGCTTTATTGGGTGTAAT  
CCCGGAGGATTGAGAGGTAATTCGCAGCACAAATAGAGGGTACCCTTTGGTTTTGAACAAGCCACCTACATTG  
GCGGGTTTGGCCTTTGAGCAGGCAGCTTGGAGGCTTGTGAACAGGACAGTATGACGGCTGTGATGGTCGAG  
GAGGAGCCAAAGAAACGAGGTTTTTCTCATTCTTCGGAGGCTAAGAGATCAAATTCTCTAGGAGAGAAGG  
TTGTGTAGATCTGCTCTGATCTTAAGGGTGGCCATGTACAAATTGGAGTAGAAGGATTTTGGTAGTGTTAGAA  
AAGCAGCTGCAACTCTGCCATTGTTTGTCAAGAGGAGATGCTCCGGTGAGTAGTTTTGTATAGTTTGGTTTG  
ATTCTGATTCTCTTAATT

>trans\_c\_1131 BT025024|Arabidopsis thaliana At3g52040 mRNA, complete cds

GCCGAAGAGAGCATTTAAAAGAAAGAAGCCATAGGTTTTCTCATAAACCTAATTCTACTTTGGATAAGAAT  
TTCGGAGGAAGAAGATGACTCAGAAAGCAAATCTATTCAAAGGTAAACAGAAGAGGAAAACCATTCCTCCCA  
ATCGCCATGGAAAAATCCCCAAACTCGCAAAGGGAAAAGATTTGTGAAGCCATCAAAGACTACCAAAGAGA  
TGGAACAGATCGGGAAGTAAGCAAGTTTATAAATTACTGCAACGAAACAAAGGCGGCTACTTTAGCAAACA  
AGGAAGGTGGGCAGTTGAGTATTGTGAAAATCCAGCAAATGCGGATAATAGTAATGCAAAGAAAGAGTAG  
AGAACAATTCAGACTTGTTAGTGTTACAATATTGTGAAATTATTTGTGATGTTATTCCTTTCTCTTTCTTTTCC  
ATCCATTTTATCCCCACTCCGTTGAGAAGGTGAAAATGATGTGTTGAGTTCGTCTTCTTAACGCAGTTCTCAA  
TTTTGTTAGGAGTCAATGATTTATATATTATATATTTGTTTTACTTTTGTAGAATAGCATATGCAGAAATCAA  
GAGAAAAGACCAATCACAAATTTGGTCACTTTTTGTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAGCCCCCGGCCCAAAAAAGTTACCGATACCCCCAACCCCGAGGGGGGCGCCGGTACCCAATTCCCCCTA  
AGGGGAGGGGAAAAACCCGGGGTCACGGGAGGCCTTTTAAACCCCGGACGGGGAAAAACCCGGGGGT  
ACCCAATTTAACAGCCTGGCAAAAAACCCCTTTCCCAGCGGGGAAAAAGCAAAAAGGCCCGCACCCATC  
CCGCTTCCCAAATTTGCCCCGCCGAAGGGGAAAGGGGACGCGCCCGGAAGGGGACCATTAACCGGGGCG  
GGGGGGGGGTTACGCCAGGGGACCCCTCCTTTGCCAGCCCCCTATCGCCCCTTCCTTCGTTTTTTCTCT  
TTCCTTTTCCCCAAGTCCCCGGTTTTCCCTCAAAGTTCAAATAGGGGGTCCCCTTGGGGATCCAAATAA  
AGGTTTTAAGGGCCCCCGGCCCAAAAA

>trans\_c\_1132 XM\_002328233|Populus trichocarpa glycosyltransferase, family GT8, mRNA

AAAAAGAGTGCATTCTTGACTCACCTAGCAGCCAAAACAGTCCCTAAATCCTTGCATTGCCTCCCTTTACAAC  
AGCAGGAGACTATTTCTACAGGGCCATCATCTTAATCATAATATTGACAGAGAAAAGATTGAAAATCCTTCTC  
TGTATCACTATGCTATTTTCTCAGATAATGTGTTAGCTACCTCCGTTGTAGTCAACTCCACGGTTTTGCATGCTA  
AGGAACCAGAGAAACACGTTTTCCATATTGACACAGATAAGCTGAATTTTGCTGCTATGAGAATGTGGTTTCTT  
GTTAATTCTCCTTCAAAGCGACAATCCAAGTTCAAACATTGATGACTTCAAGTGGGTGAATTCCTCTTACTG  
CTCCGTTCTCCGACAATTGAATCTGCAAGACTTAGAGAATATTACTTCAAGGCGAATCATCTTCTTCCCTCTC  
CGTTGGCATGGATAATCTGAAGTACAGGAATCCGAAGTATTTGTCCATGCGAAATCATCTTAGATTCTACCTCC  
CTGAGGTGTATCCCAAGTTGGACAAGATCCTATTTTGGATGACGATATCGTAGTTCAGAAGGATCTAACGTC  
CTTGTGGGACATTGATTTGAAAGGTATGGTGAATGGGGCAGTGGAGACCTGTAAAGAAAGCTTTCATAGGTT  
TGATAAATATCTCAACTTCTCAAATCCAAAGATATCGGAGAACTTTGATCCAAATGCATGTGGTTGGGCATTG  
GCATGAATATTTTGAAGTGAAGGAATGGAGAAAACGAAACATGACTGGAATCTACCATTACTGGCAAGATCT

GAATGAGGACAGAACTCTGTGGAACTTGGGTCGCTAACGCCAGGTTTGATCACCTTTTACAATCTTACTTATC  
CACTAGACAGAGGGTGGCACGTTCTGGGGCTCGGATACGACCCCGCCCTCAACTTAACGGAAATAGAGAATG  
CTGCAGTTATCCATTACAATGGAAATTACAAACCTTGGTTAGATTTAGCTGTTTCCAAGTACAAGTCGTAAGTGG  
TCTAAATATGTGATGTATGGCAACCTTATCTCCAGCTTTGTAACATCAGTGAATAACAATTTTGCCCACCCCT  
CTTTTCACTCAATTTTTTAATAGAAAGGAATGAAGTAGATCGTTTTTGCTATTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_1133 NM\_111598|Arabidopsis thaliana GPI transamidase component PIG-S-related  
(AT3G07180) mRNA, complete cds

AGAATTAGCTCCTATAGCAAATGTCTCAGTTGAGAGTCAGGTTTTATATCATACGCCAACCTCCTCTTTTCTTA  
CTGGGACAACAAGCAGGAAAGCTACATCTTCAATACTAAAGATCTTCCCTTTTTTGTGAATTCAAACGAATGGC  
ATTTGGATACTTCAATTGCAGCAGGCGGGAGGTCAAAGATATTGCATTTTGTGGTATATGTACCATCAGCAAG  
GGAATGCCCTCTTCTTTAGAGCTACCTGATGGCCAGATTCAGAAACAAATGGGTTTATTTCTCCTACGTGGG  
GAGGCGTAATTGTTTGAACCCTAAAGGCTGCCTGAGAGACCATGAAAGTAAGCAGCTCCGTAGGCATATGA  
TTTCGAATCCGGAGCTGGAGAAAATCGTTGAAGTATTCCTGGGGCAATTCGGCAACTTTTTGGTCTAAAGTC  
CAATCCCCAACATGTTGGTCTGTCGGGCACATTCAACATTTTAACCAGTCAGAAAGGCTTTACAGAATGGGAA  
ATGGATTTCTATCGAGGCAGCATTCATGTTTAAATCTTCATTATGTGCTTCATCCCTCGGATCTCTTTCTAGAT  
TGGTTCAATCACTGCCGAGGATGATTATCATTGATGAGATTGGAAAACAGGTAAAATATTCTCTCGAGGCTGC  
AACTTGGCCAGAAAAATGCCTCTATGGGAGTTTTTGACGCAGCAGCCATATCTTCCAGGCAAGCAAGGTCT  
CTAGCAGAAGATGCATTTTTTACCCATCAATAATGTCAGTCAGCTATTTTTCATTTGAGCACTGCTTTGCTGTC  
TACTCGCTTTCTTCTTGCAGTTGCTTGCACGTAATTTGGCTGCACTGAGAGAGTGGAAAAGATACAAGCA  
AGAACACAAGAAGTATTTAGCTTTTTTGGCCAAACCAAGCGAAGCTAGCAACTTAATCATGGTGAATTTGTG  
TCGGCTTAGTCAGTTCTTTCTTTTTCCCATTTAAGTTGTCCTTATAACTTGAGAATGCTTCTCAATAATGTATT  
CTTATTTATATATATAATTTTTGAATGTTAGTTAGTTCTAAACAAGTAGATATCTAATATTTGTGGCATCTTT  
CCGAAGGACATTAATTGTCATTTATGAAAGTTTAGGATTTAAATTTAGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_1134 AB107593|Citrus jambhiri RlemEH mRNA for soluble epoxide hydrolase, complete  
cds

ACTCCTCTCTGGCACACCCAGAAATTCAAATTTGAAGCAGAAATAGAGAGAGAGAGAGTTCATGGACGC  
GATTCAACACACCACCATCAAAACCAATGGCATCAAAATGCACATTGCCTCTGTAGGCAATGGCCCCGTCGTTT  
TTCTTCTTACGGCTTCCCCGAGCTTTGGTACTCATGGCGCCACCAACTTCTCTACCTTTCCTCCGTCGGGTATC  
GAGCCATCGCGCCGACCTCCGCGGCTATGGCGACACCGACTCCCCGAATCGCATACTTCTACACCGCCCT  
CCATATTGTCGGCGATTTGGTTGGGGCTTTGGATGAGCTTGGGATTGAGAAGGTGTTTCTGTAGGCCACGAT  
TGGGGGGCGATCATCGCTTGGTACTTTTGCTTGTTGAGGCTGAAAGAATCAAAGCCTTGGTGAATCTGAGCG  
TCCAGTTCTTCCCTAGAAATCCGGCAATTTCTTTCATCCAGCGTTTCAGAGCTGCGTATGGTGATGATTTCTATA  
TGTGCAGGTTTCAGGTTCCAGGAGAGGCAGAAGCAGATTTGCCTGCATTGACACTGCTCAACTGTTCAAGAC  
AACGCTATCTAATAGAAGTACAAAGGCTCCTTGTTGCTAAAGAATACGGATTTTCGCGCCATCCCACCGCCA  
GAAAACCTTCTTCTTGGTTGACAGAAGAAGATATCAACTATTATGCTGCCAAATTCAAGGAGACAGGCTTCA  
CTGGAGCATTGAACTACTATCGCGCTTTTGACTTAACTTGGGAGCTTACAGCGCCATGGACGGGAGTGCAGAT  
TCAGGTACCCGTGAAATTCATCGTAGGCGATTTCGATTTAACTAACCATTTTAAAGGAGCCAAGGAATATATC  
CACGAGGGCGGGTTCAAAAAGGACGTGCCATTGCTGGAGGAAGTAGTAATAGTGGAAGATGCTGGTCACTTT  
GTCCATGAAGAAAAGCCACATGAAATTAATACTCACATTCACGACTTCATCAAGAAATTTGAACAACATTTCC  
ATTACTAACCCATGTTAGTTTCTGTTTCGATCTGGAACTTTTGATGCTTTCAGCTGTTTGTCATTTTGTTAAGCCT

TCGGAAGCAACAAGGAGCAAGAACAGTCAAATCTGTGTTTGAATATTTTCTTAATTTATGTAGTTAAACA  
ATGGGTTTTTTTGA

>trans\_c\_1135 XM\_002874895|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Os01g0254000, mRNA

ATTGCCAATTTCTATTTCTACAAGGTTTTAGAACTTTCTTATTGCGTCTTCTCTCTCTTCTAACCTGCCC  
TTCTGCTGAGGATTCTCAATCGGAGTGACACAACCCAAACAATCGCCTAGCTCGTTCTTGTGCTGCTGCTGAC  
TCCGATCGATTCTCCATCCCCTTCTTTTACCTGTATCCTCAATTATGTTTCTGTGCGACTGGTTCTATGGCGT  
CTTGGCCTCCCTTGGTCTCTGGCAGAAGGAGGCCAAAATCCTGTTTCTTGGCCTCGATAATGCCGGAAGACG  
ACCTTGCTCCACATGTTGAAAGATGAGAGGTTAGTACAACATCAACCAACACAGTATCCTACTTCAGAGGAGT  
TGAGCATCGGGAAAATTAATTTAAGGCGTTTGATTTAGGAGGCCACCAGATTGCTCGTAGAGTTTGAAGG  
ACTACTATGCTAAGGTCGATGCCGTGGTATACCTGGTGGATGCCTATGATAAAGAGAGATTTGCTGAATCCAA  
AAAAGAACTTGATGCCCTCCTTTCGGATGAATCACTTGCAAATGTCCCATTTCTCGTGTGGGGAACAAGATCG  
ACATACCCTATGCTGCCTCAGAGGATGAATTACGATACCACCTCGGCCTAACCAACTTCACCACTGGAAAGGG  
GAAGGTAAACCTAGCAGACACAAACGTCCGTCCGTGGAGGTGTTTATGTGTAGCATCGTCCGCAAAATGGG  
GTATGGTGATGGCTTCAAATGGCTTTCTCAATACATTAAGTAGGTGGGATAGTCACAGGTCACGATTGCCATG  
ACACTCCATAATAGCCAAACGTTTGCTTAGGTGCACATGTACTGTTGGGTTCCATGTGGGATTGAGGTTGAT  
ACCCTCTATCACTGGTCTGTAAATTTGTGTATCAATAGTTTGTGTTTATTGGCCATTCTATCCAGATTGGTATATG  
TATGCATTTCTTTTCTAGATTCAGCCAACAGGATTTTCTTTTCTAGACATTGTAAGACTTGAAAGCAATACAG  
CCTATGTGGTTTGTGTTTGGGTATAAAATGTTTGGTTTATAGTGCAAAGCCAGGAGGATGTTTCGCAATTGTTCT  
GTTTATCATTGTACTGTTTCTCCTCGTCCCATCCTATCCCGGTTTCATTGTAAGTATTAGTGTGTAAGACAT  
CTTATATT

>trans\_c\_1136 NM\_105788|Arabidopsis thaliana SAG18 (SENESCENCE ASSOCIATED GENE 18)  
(SAG18) mRNA, complete cds

ATCCAAAACACAATTCACGTGTAGTAGACGAGACGGAACCTTTGATCTTTCTTTCTCCAAAGTCCAAACATACA  
ATTGAGGAGCTGAAACGAAGAGACAGACAGTGAGTGGTTGACGAGAACAACCGACAACCTCACAAAAATC  
CTTCCGACCAAAATGAATAAATCCACCATTACGCTTGGCTTGTGTTCAATTGTATGCTTCCTTGTGTTTATGATC  
GTCACCCCTTCCATCCCTCAGACCCAGGACTACCACGATTCGCTGATCACCGCAATTTTTCGGTATACCTAAC  
ACACTGAACGTGGTTTCAAATTTCCATTCTTGATTATCGGCCTCATAGGACTTGTACTTTGCTATCATGAGAAT  
TATTTTAGGCTGAGTTTGCAGGTGAGCTTTATGGTTGACTTGCTTTTATATTGGCGTGGCTCTGTAGCCTT  
TGGCTCCTCTTATTATCATCTTAAGCCAAATGATGCTCGCCTTGTCTGGGATCGGTTACCCATGACCATTGCATT  
CACTTCGATAATTTCAATATTTATTATTGAAAGGATTGACGAGTACAAGGGAACACTGTCCATCATACCTTTATT  
GTTGGTCGGTATAGTTAGCATTTTATACTGGTGCTTGTGTTGATGATCTACGCCCCTATGCACTTGTCAGTTTGT  
TCCTTGATTGCTATTCATTAATGACTATTTGTACCTCCTATGTATACACATTCTACATACTGGCTTTGGGCT  
GCAGGATTTTATCTATTGGCAAAGGTAGAAGAAGCTAGCGATAAACTGATATATAAATGGACATATCATATTG  
TLAGTGCCACACACTCAAGCACTTATGTGCTTCTATGGTCCCTGTCTTCTTAACATTGATGCTTGCCAAGCGA  
ACAATTGAACCAGACAGGCAGAGTTTATACAAGATTTGGAAGGTGACATTGATGAAGTTTAGAGATGATAAA  
AACAAGGTAGAGGCATCAGTTTGTTCTTCTCATCTGTCCCTATCCTAGAACCACAATAGTTTAGATTGGAAT  
ATATTTCACTTAGGAAATATCGCTCTTATACTGTATAGCTGCATTGAGAAAGACCACAGAACTCAAGTCCC  
CAATGTAACTCTCTTTAATTATCTCAAATTCTAATTGCTTCCTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1137 AJ621062|Antirrhinum majus partial mRNA for SEU3B protein, 3' end

TGATCAAAACACAAACGGCGATCAAAGCTCTGCTCAGGCTGCTCCGATGCAGCTTGCTGCTAACAATGGCGTT  
CCTGTTCCAAGTGCAAATAACTCTGCTAATCCAGCATCAACTTCATCTCCCGCCAGTACCATTGTTGGGTTACTC  
CACCAGAATTCCATGAACTCCAGACAGCAGAACTCTATCAATAGCGCTGGCAGCCCTTATGCTGGAAATTCTG  
CGAAATATCGTCTCCAGGTTCTCAGCAATTGCTCAGGCACAAGCAAACCTCTCGTTCCAATCGCCTGCATTG  
TCCTCAGCTAACAATCATCCACAATCATCAATTGGCACTGCAACAATACTAATCACCTGAGTGCCGCTAATTCT  
CCGGCAAATGTTCCCTTGCAACAGCCTACACAATCTTCCGAAGCCGATCAAAACGAGTCCCAGAGTTCCTGTC  
AAAAGATTATTACAGGAATACATGATGTCAAATCATCTAAACGGGATGAACACAATGACTGGTGTATCCTCCAT  
AGGAGATGATGCGAAAACGTTAACGGAGTGTTACCAGGAAACAATGTTATGAGTCTCAATGGACGGAACGG  
CCTCATCGGAACAGGAAATGCTAATGGCGTTTCTGGAATGAGGAGTGCAGGATATGGTTCAATGGGTGGTGG  
TGGGGGACTCGTTCAGACTAATGTAGTCAATGGAATGAAGTCTGCAATGGGAAATAACTCGATTCAAATGG  
GAGAATTGGGATGGCGTCATTGGCTCGAGAACAGAGCATAAATCATCAAGACTTGGGGGACCAGTTCCTAA  
TGGACTTGGAGCTGTGAATGGATTTAATAATCTTCAATTTGATTATTGAATCAAGAGGATTGAAGAGAATTAG  
TCTTCTACGGATGGGAACCACACGATGAAAACAGGGTATGATGGGTCTTGTTCTATACTGATTTGTTATTTAAA  
AATATTAAAGGAAAAAATGTGGTGGTTGGAGGTGTTGCCGATTGGGTCCGAGTGAGTTTCTTTGATTTCTAAT  
GTACAACCTGTGATTTTCCCCCTTTTTCTTTCTTTTTTTGAGTTTCTTTTGATTTTAGATTTATTTACCCTT  
CTGTTAATCTTTTTACCTTTTTACCTTTTTCTTGGCTTAAAGAGTAATTTTGAATACAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1138 NM\_104700|Arabidopsis thaliana 3' exoribonuclease family domain 1-containing  
protein (AT1G60080) mRNA, complete cds

TGTAAACAGATTATAGTACAAACAATGGGACTGCCAAATGCTGCTTCTGGGGACTTGTCGTCGAAATGGAA  
GTCGATGCTTTTAGACGACTCTTCTATTAGTTTTATGAGCGCCATCTTGCTGAATCAATACGTCCTGATGGA  
AGAGCACTGGGAAAAGCTAGAGACACAACCATCGCTCTTGACCAGTATCTTCTGCAAACGGGTCAGCCCTTG  
CTAAGATTGGTTCGACGACAATGTTGGCTGCTATTAATAATGGAAGTAATGATACCTTCTGTAGATTCCCGGAT  
GAGGGTTGCATAGCTCTTGATTTCCACATGCCTCCAGTATGCTCTCAATCGTTAGGCCTGGGAGACCAGCGG  
AAGCAGCACCTGTGATTTCAAAGCAGTTATCTGACACTATTTGAGTTCTGGGATGATTGATCTGAGAGAACT  
ATCTCTTGTTAAAGGAAAAGCTGCTTGGATGGCTTACTTGGATATTTACTGTTTGGACGCTGATGGTTCTCTTTT  
TGATGCTGCACCTCTTTCTGCAGCAGCTGCATTTTCTATTTGCAAATCCCTGTTGTTGCTCTAAATGATGATGG  
AAGAGTAGTATTTGTCTCTGAGGAAGAAGGGGGAGAAAACCTTGAGAAGGAACCTGTCAATAAAGAGAAAA  
GGAACTGAAATTGAACTCCGTTCTTTCTCATTAAATGCCTACTCCACAAGAAGTACATCTTGCCGATCCT  
ACTGCAGAGGAGGAGTCCGTCATGGAACTATTGTAAGTGTGGTTTTGGATTCATCTGGTCAACTGGTTTCCTT  
CTACAAGCCGGGTGGTTCCGTTCTTGCTTATACATCAGCTGTTGAGGATTGCATTGCCTTGACAAGACAAAGAT  
CGAAAGAACTACAGATAATTTTAGATGAAGCAATTTCTGGTATGGAAATCGACTAAGCTTGACAGTATCTTCTAC  
CGGTTTTAATGAATTGAATGGTGGATGGTTTGTAGGCTTCCAATTAATACTTGTGTTGGTTGCCTCCAGAATTTT  
GGTGGTGATATTTGCTTACCCTAGAGATTGTTTTGTTAAATTTGATCTCAAGGAATCAATTTTCGTGCAGGCG  
TCTAATTTCTATTGCCAAAATATCTCTTATTATTATTAATTCAAGTTAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_1139 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGTCACG  
TACCAAATAAATTCATATTAGCAATTTAACCTTTCAACACATCTTCGTGATGTTTGATGGTTCAAAATTTTACATT  
CCAATAAATGAACAAACAAATCATACTAATCTCCAAACTTCAAAACATATCACCTTTTTCTACTTCTTCTTCTCT  
TCTTTTTTTTTTTTTTTTTAATTCTCATCAACTTGGATAAGCTTCATCTTAACCCTCACAAAGTTGATGGATTTTAA  
TCTCTTTTTTTTTTCTTTCTTTTTTTGAAAAAACAAACAAATTCATGAAATTTATTTTTTACAATTTGTATTTAT



ATATTTATATGACTGTGCATTGAGGATGTCCCATTAACGGATAAGGCGATAACGGCGGCACGTTAAAAATTCC  
TTTTCCATCACTGTCCCAAACCGTCGCCCAACAAGACGGCGTTAAAGGACAAACGGTACTCGGAACCTCCGATC  
TCCCCTGTTTCCGATGACTCCTCTTTCTTCATCTCCTTCTTCCCATTTCCACAACCTCACTCTCACTTTCCCTCCTC  
CTTTTCCGTCCAACATCCGAAGTCGATGGCGGATCCTCCACATCCTTCCCAGCCTCAAGAGGAAAAATTCAAAT  
GGCTTTACTTCCCCTCATCTAAAAGCAGCTCTGTCATAAGCTTTCGCAGCTTCAATAGCGGTATCATAAGTTCC  
AAGCCAAACCCGAGCCCCACGCTTACTGGGGTCACGAATCTCCGCCGCGTATTTCCCCACGGCCGCCGGCGG  
ACTCCTCTGTAATGCCGACTCACACCCACATCCGATTTGGCCTCAATCGAGGTTTCAACCGCCGATCCTACAGA  
GTAACCTTTAGGTGGAATCGCTACGTTTAGCGACGGGCGGCGTGGAGCAACCTTTGAAGGGGTGGAGGAGG  
AGATTTGAGATTGGTGTCCGTTGTTGTGGTGGTCAAGTTGAGATTTGAAGCGAAAGACCTCTGGGAGTTGA  
AATCGTTGAGGAGATGTTGTCTGATGAGATCGAGAGTGGAAGCGTCATCCATGGAATTGGTTGATTGGTTAT  
GAAATTGGATGAAGATTTAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAGGAATCT

>trans\_c\_1140 AY337616|Gossypium barbadense Gbiaa-Re (iaa-re) mRNA, complete cds

AGACCAAATCAATACTCAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAGAAAGAAATCAAACCTTTAAGGCGAAATTTGG  
GAACAATGGCATTGAAAATGGGTAAACCTCGATGCGACGGAGCTCCGCCTTGGACCACCGGGCGTCGACG  
ACAATAAATTACAAGAACAACCTCAATCTATCAGAATCAACAAAAGACCGTTACTATTACCAGAATCCAACCAA  
AGTTCTTCGGGATCAAATGTATCCGTTTCTCTGATGCCACTCTTGACACTCCACCTCCCTCCAAGGCTCAGATT  
GTGGGATGGCCACCGGTTCAATCATTTAGAAGAAATAGCCTTCAAGGGAAGAAGACGACGGTGGCGGCGAC  
AACGGCGGCGCTGGAGAGTAGTGGAATTTTGTGAAAGTAAGCATGGATGGAGCACCTTATTTGAGAAAAAT  
TGATCTTAGTTTATACAAAGGATACCCTGAACTCTCCAACTTTAGAAGACATGTTCAAATTCACCGTAGGTG  
AATACTCTGAGAGAGAAGGCTATAAAGGATCTGAATACGTTCCACTTATGAAGATAAAGATGGTGATTGGA  
TGTTGGTTGGAGATGTCCCATGGGAAATGTTTACGTCATCTTGCAAACGATTGAGAATCATGAAAGGATCCGA  
AGCAAAGGGATTAGGATGTGTTGCATAAAGAAAAACAATATTTTAAGAGATCAGAACAAAATCAATGGAAGG  
ATTGAGACAAGGAAAAAAAAATTGAAGGCTTGGGTTATCGAAGAAGAAAAAGAAGACAGAATGTAGGATTG  
TTATTATTAAGATTTTAATTGTTTTTGTCTCGAGGAGGATCTTCTCTTCAAAGATGGAATTTTCTTTTTCTA  
TGCAGCCAAACAAACAGAAAAAGAAAAAAAAAACCAAAATCGGATTTGGATTTGAAAAACAAAAGATTGG  
CAAAGAAATTTGGATGTTTTTGGGGGATCGTTTGATGATATGATTCTTGCTGCAATTTGATCATCTTTATGAGG  
AAGATAATCACGAGTGTCTCATGGTGGGAATTTAATCCCAATTACATATCATTATCTGCAAGGAGCAGAGAG  
AATGATTTGTTTTTATTAGTATTATTATTGATATTAATGTAATTTTGATGCAAAAAAATTATATTAATTATATGA  
TCATTAAAATTTGTTGATTA

>trans\_c\_1141 EU359698|Nicotiana tabacum isolate OIPK-L cultivar sumsun NN mitogen-activated protein kinase mRNA, complete cds

GGTGAAAGAATTGGAGATCTCTGATTGGGAGCCGTTTGAAATTGCAGACATGATTGAAGGTGAGATATCAGC  
TCTGGTTCCAACTGGAATAGAAGTGAGTTAACCAACCATAGCCTCAGCTTCAGATATGCAGAAGAAGATGAT  
AATGTATCTCATCATACTTCCGCTCGGTCTCGTCGTCGTCCTCAAGCAACAACCTTTGGGTCTTATCTCCTCCCCA  
AGAACAAACCAAACATTTCAAATGGTTTTAGTTGGTTTCCAGATGATACGCTTGATGATAGCAGTTCACAATG  
CTCATCAGTGTCTGGGAAAATACTCCAACCTGAATTATATCAGCAGCGAGGAGTACGAGACCAGCATGAGTTCA  
GTCCAGATAGATCAACATAACAACATCAATAAGATTACAAATTCCTCAAGATTTTGTCTATTGAGAACCGCAA  
AAACAAGGATTTTTTGGCTCAACTTCTATACAAGCAGAGCCAATGTGCGATAGCAGGGTCTGCTCAAGGAGTT  
GCCTCTTGTGCAAAAGACAAGAGAGGAACAGATGGTCGTAAATTAACAAGGAACAGATCACTAGTAGATGTA  
CATAGCCAATTGCTGCATCGTTCTTTAGTGGAGGAAGTGAATAGAAGACGGTTATTCAAGACAGTTGGAGCA  
GTCGAAAGCATAGGCTTTCAAGCACCTTGTGAGGTTTCTTCCAGCAAAAAGGTCTCGAGTAGGCAACCGATTG  
GGAACCGAAGTAGTGATGTAGCAAGAACGAGGAGAAACGACGATATTATATGGCAAGATGTTGGAAGGAGA

ACATGAAAAATGAAATGTTATCCTTCAAGGAGAATTGTAGAAATGTGGGAGCTAAAGAGCTGATTGTAAATA  
GTTGAAGCTTTGGGGTCAGAATCTGATAGAGAAGAGGATTGAAGGTATAGATATGGCTGAGTTATTTGGATG  
AAAATGAAATGAAAAATGACAATGTTTTGCCTTGTATGTATTAGTGTGTGCTTGGTTTTCAAGATGAAGGTGC  
CTACCCTCCTTTCAGAAACAGTGTTATATTTGTTTGCAAATCCCTATCTATCACTTAATTCAGAGAATTTCCATA  
AAGTTTTAGGCTTTAGTATAATTATCACATTGTGAACGATGGGTCTGAGTCTCCTATGTCATTCTGTATCCATA  
NGATGGTAATACGTGTT

>trans\_c\_1142 XM\_002869618|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ATATGCGAAGGCATGGAAGCCATGTGCAATCAAGGGCCGCACCTATTATTAATGGGAAAAAGGTATGGAGCC  
GGAAGCCAAAGCCAGAAAGAGATGGAGATCGTTTCCAGGCCAGGATACAGGAAGAGGCAACGACCCGGGC  
AGAGGAAATTAAGAGCCATGAAGTTTTGATAGTTCTATTTCACTGAGCATTAGGAAATTGCAATCAAGAGAGT  
AAATATCCAGTTGGAACCCAGATGATTACCAGGACGATCATCAAACACCTAAGAAGATCAATAATCATTTGG  
AGAAATTCATTAAGCCGGATTCAATTCAAACGCAACAAATCGGGTGATGATTAAGCTTTGGAGGCCAGTTAG  
TCGTAACGGAACCAAATATGCGATGCCAGATCAAAGTGAAATGGCGAGTCTGAAGCTGAAGTGACAACTGA  
AAAGCTAGAGGATCAGGCCCTTCTGAATGTATATTCTCCTCATTCTTGGATGGTGACACTGGAGACTTTGGA  
AACGACTCTTTTATCCAGGAAGAACCTGCACAACAGTTGGCTTGGAGTTCTCTAGTCTTGGCGCAAAGCTTT  
CCTTGACAAAGGTGGAAGGAGGCCATAACAGCCGATCACGTGAAATTGAATCTACCCTCAGATTCTGAATCT  
TCTGGATGTTTTCAATTGCAAAATGACAATGAAACCAACGTTGACAGACGCATTGTTAATAATGGCAATACAA  
TTTTGATAAACTTGGAGGCTCCCAAGTCCTCAACAAATGAAGCTGCTGGCAAGACCACCACCAAGTTCAGGAC  
AAAATTTGAAAAGGGTGCGAAGATAAAGTACATTCCCAAACCTCGAACTACTACTACTACCACCTAATAAAGA  
AGACAGAATGGGATTTAACCCACGAGTTGTTTTCTTTTACATTCTTTCAGAGCCAATTTTCCAATGGTCTTC  
TGTCTTGAAGTTGAAATTTTTCTTTCTTTTTTTCTTTCTTTTGTTCCTTTACTGGGAAATCCTTTATGATTCT  
GTCATTTCTGTCAGGTTGCTGCAGCAGATTGTTAGCGAGGAAGATTCTTATTTTTGTTATAATTTCTAGATG  
TTCCTGTAATATTTTTGTTATTAGTTATGAAAAGGTTATCCTATTTTTTGCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1143 NM\_117676|Arabidopsis thaliana protein binding (AT4G15840) mRNA, complete cds

AGAGGATATGATATGGAATTGCAAAGCAGAATATCTGCCTGTATGGCAGGGCCAAGTGCCACTGGTATTCT  
GTCCAGATGCTTCAATCTCCAGATCATGCCCTTGAATTGAGTGGGAGAATGGAAATAGTTTCGATTGTATTGG  
ATATGAAAACCTCTTAAAGCCACTTCCCTCCTTTTCGCCTCGGGGTGCAATTTGAGGACGTTTCATAGGCTAAAT  
GATGACCAAGTCAAGCATTACCTGAGTTTTCTATGCTGGTTCTTTATGGAAGGTTAGTGCTCAGGCGTTCAA  
TGACGAAGACCCTCAAGGACGTGCAACTCTAGGATTATTTCTTCACAGGCGGAAGGCAGAAATATCTGATTCT  
CTCAGAAAGGTCCATATGTTTGTTGATTCTCGTGAAAAAGTTACTGCACGATATCAGTTGATATGTCCATCAAA  
GAGGGAGGTGATGGTGTGTTGGCAACTCAAACAAACAGGAACTTTTTACCAAAGCTCCCAAGGGATGGGG  
TTGGCGCACAGCCCTCCTATTGACGAGCTTGCAGATTTTCTTCAACATGGGGCTCTGAGGGTGGCTGCTGTT  
GTGCAGCTTGTTGAGCAATGGTATGTATGTATTTATTTTGTATGGTACCCCCACAGTAGTTTTTATGTTCT  
CTGAGAGGTGCCCCTAAAGTTGAGCCAGTCAATAGCACACGCATCTTAAAAAAAATGCCTTTTGGATTTG  
GTCTGAAGGTTTGAGAAATGGAAATGTTCAACTTAGCCTTTTAAGTTTAGATAATGAGACAGTTCAATAAATG  
GTTCAAATTGGTCCTTGGTATTAATTTCTGTTGAGTGACACTAACGAAAAAGTGACATGCCATCCTCATTTTTG  
AATTAGTTTGGCATCTTAGATGGCATTCTGAGACAGGAGAGAGCTTGAAGGAGAGATAATAAGGAAGAAA  
CCAAAAACCTCACAAGCAATATGTACAAAATTTGTAGAATACTTAAAAATCGACACTGGCACATCATCATCTAC  
TTGTTGAGTTCCCTTTTTCATTAGTTTCATTGATGAAACAGTAATCCCAGAGACCAATTTGAATCATTCTCTTNC  
ACTTCTGAGAGTTAAATGTCAATTTTGAAAGTTTGGGCAAATTTTCTCTAGGAACCAAAAGAATATATCTTTCC  
CATANGTGAT

>trans\_c\_1144 EU737107|Eucalyptus grandis UTP-glucose 1 phosphate uridylyltransferase (UGP)  
mRNA, complete cds

GATATTCATACATTCAACCAGAGCCAATATCCACGTTTGTTGCTGAGGACTATCTTCCACTCCCTAGCAAAGG  
ACGCACTGACAAGGATGGATGGTACCCTCCTGGACATGGTGATGTTTTCCCATCCTTGAAAAACAGCGGCAAA  
CTTGATGCCCTGATAGCTCAGGGCAAGGAATATGTCTTTGTTGCAAACTCTGACAACTTAGGTGCCGTTGTGG  
ACTTGCAAATTTTAAATCATTTGATACAGAACAAGAATGAGTACTGCATGGAGGTGACTCCCAAAACCTTGCC  
TGATGTGAAGGGTGGTACTCTTATTTCTTATGAAGGGAAGGTTCAAGTTGCTTGAAATTGCTCAAGTCCCTGAT  
GAACATGTCAATGAATCAAGTCAATTCAGAAATTCAAAATTTTCAACACTAACAATTTGTGGGTGAACTTGAA  
AGCAATCAAAAGGCTTGTTGGAAGCCAATGCACTTAAGATGGAGATTATTCCAAATCCCAAGGAAGTTGATGG  
GATTAAAGTTCTTCAGCTCGAAACAGCAGCTGGTGCAGCTATCAGGTTCTTTGATCATGCAATTGGTATTAATG  
TGCCACGATCACGATTTCTTCCAGTCAAAGCAACTTCAGATTGCTTCTTGTCAGTCTGATCTCTATACTCTAG  
TTGATGGCTTTGTCCTTCGCAACAAGGCTAGAAAAGATCCTTCCAATCCTTCTATTGAATTGGGGCCCGAATTC  
AAGAAGGTTGGTAACTTCCTGAGCCGATTCAAGTCAATTCCGAGCATCATTGAACTTGATAGCCTTAAAGTGG  
TTGGCGATGTTTCGTTGCGGGCTGGTGTGCTTCTCAAGGGGAAAGTGACTATTTGCGCTAAACCAGGGACAA  
AATTGGCTGTACCCGATAACGCCGTAATAGCAAACAAGGAAATCAATGGCCCAGAAGATTTCTAAACAATTGG  
TTGCCTTTCACTCTTTTCAAGAGCAGAAACCTTATGGCATCTGCGTACCCTTTCTCTTTTAATACCAACAAAAT  
CGTGCAGTTTTGTCTGTAATATGCGTCCAGTTTGGGAACTGGTGTGTTTGTATAAGATGAACTTTGTTGGCATT  
AAAACAAAATGAGTTTATATTAATATATAACACAGAATAAGCAAAAGTTAAGATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1145 AF255338|Glycine max 20S proteasome subunit mRNA, complete cds

AAGAAAGGGTCTGCTTAAAGCTTACTGAACAAAGCCTTGTTGCTGCTTCTTCTTTCTTCGCTGCTTCAGAAT  
CTACCAGGTTTCTTCAATTCTATCGCAAAAATGTTTCTCACCAGGACCGAGTACGATAGGGGTGTCAATACCTT  
CTCACCTGAAGGTCGATTGTTCCAGGTTGAGTACGCGATTGAGGCTATTAAGCTGGGTTTCGACGGCTATTGGT  
TTGAAAACAAAGGAAGGCGTTGTGCTTGCCGTTGAGAAACGTATTACATCTCCACTACTGGAACCAAGTAGCG  
TGGAaaaaATCATGGAAATTGATGAGCATATTGGATGTGCAATGAGTGGATTAATTGCTGATGCTCACACACT  
TGTTGAACATGCTCGAGTTGAGACCCAGAACCATCGGTTCTCATATGGTGAACCAATGACTGTGGAGTCTACA  
ACACAAGCTCTTTGTGATCTAGCCCTAAGATTCGGTGAAGGCGATGAGGAGTCCATGTCTCGACCATTTGGAG  
TAGCTCTTCTTATTGCTGGACATGATGAGAAGGGGCCAAGCTTATTCTACACAGATCCATCTGGCACTTTCTGG  
CAATGCAATGCTAAAGCTATCGGTTGCGGTTCTGAAGGCGCAGATAGCTCTCTGCAAGAGCAATACAACAAG  
GACCTAACTCTTCAAGAAGCTGAAACCATTGCACTTTCCATTCTGAAGCAAGTTATGGAAGAGAAGGTAACCTC  
CCAGCAATGTTGATATTGCAAAGGTGTCTCCAACATACCATCTGTACACCCCTGCAGAGGTGGAGGCTGTCAT  
TAGCCGGCTATGAGGGGGGTTCTTTGAAAGATCTTCTGGACTGCTGTTATGTTTCTTGCTACTGGCATGTATTT  
GTATTCTTCTTTGTCTGGTGAGGGAGAATCTGAGGTTTTGCGCTACTTTGAAAGCTATTGGTGATGTGTTTACT  
GATAGCTTACAAATTAATTATGGGACATTCTTGATGGGTTATTGCAAACTTAGATGAACAATTTGATTAGTCCT  
TTTACGAAAGCCTGAACATTATATGCTGAAGCGCCATTTTGTTCAAAACGTGAGAATATCTTGTGGCAAACAG  
GAAATATTCGAGTTAGCAGCAAGCAGATTCATTGTTTCTATACTCTTCTTTGTTTTACATTTTCTTTTAACGT  
GACTCTTAA

>trans\_c\_1146 Novel Gene

ACACAATTTTAAATATTGGATCTTCCGTTATTTAAATCGTGTATCTCCCTCACTTGAGTGATTTATCATTCAAT  
GAATGACTGAAAAATATAATGTTTGTTACTTTGTACATAAGTAAAACATTCAAAATTGTACTTATTCCTTCTACC  
CATCGCGAAGGATGCCTCCTATATTCGAGTAACTTTATTTCAGTAAATAGCAGAATCATGGATAGGGAACAT  
ACTAGGGACCTACCTAATTTTATTGTAGAAATTTTGGGCTCAATGATTGGACCATGCAAACTAGAAATACCTT

TTCTTCGATAAAGGAAGAGATTACTCGATCTATTTCCGTATCACTCATGATATATATAATAACTTGGGCACCCG  
TTTCAAATGCATATCCCATTTTTGCACAACAGGGTTATGAAAATCCACGAGAAGCAACCGGCCGTATTGTCTGC  
GCCAACTGCCATTTAGCTAATAAGCCCGTGGATATCGAGGTTCCACAAGCGGTACTTCTGATACTGTATTGA  
AGCAGTTGTTCGAATTCCTTATGATATGCAACTGAAACAAGTCTTGCGAATGGTAAAAAGGGTGGTTTGACC  
CACCCCGTTTTCAAATTTTACCCGAGGGGTTGAATTAGCCCCCCCCGATCGTATTTCTCCCGAGATTAAAGA  
AAAGATGGGCAATCTTTCTTTTCAGAGCTATCGTCCCACTAAAAAAAATATTCTTGATAGGTCCTGTTCTT  
GGTCAGAAATATAGTGAAATCACCTTCTTCTTTCCCGGACCCTGCGACTAAGAAAGATGTTCACTTCTT  
AAAATATCCCATATACGTAGGCGGGAACAGGGGAAGGGGTCAGATTTATCCCGACGGGAGTAAGAGTAATA  
ATAATGTTTATAATGCTACAGCAGCAGGGATAGTAAGCAAATAATACGAAAAGAAAAAGGAGGATATGAAA  
TAACCATAGTGGATGCAGCGAATGGGCGTCCCTGTGTTGATATTATCCCTCCAGGACCAGAACTTCTTGTTTCA  
GAGGGCGAATCCATCAAACCTTGATCAACCATTAAACGAGTAATCCTAATGTGGGAGGATTTGGTCAGGGAGAT  
GCGGAAATCGTCCTCAAGATCCATTACGTGTCCAAGGCCTTTTGTCTTTTTTGCATCTGTTATTTTGGCACAA  
ACTCCCC

>trans\_c\_1147 BT015805|Arabidopsis thaliana At4g35930 gene, complete cds

ATCCTGAACTCTCTCGATTCCGAGGTTTTGTTTTGATTTAATTCATTTTCGTTTCCTTTCTTTGTTTTGATTTGT  
TCCATTTTCGATTCTTGCTCCGTTTCTTGTTGTTTTCGATTTGTAATCACTTCTCGTCTCGAGGGGATTGGGT  
GTATTTTTTTTTTAAGTGTGTTTTGAGGTGGGGTGTATTTTTTTTTTCTTTGTTCTTCAATGTTCAAGAAGTTATT  
TCTCTTGGGGTTTAAAGTTTCTTCGGTGGTTAATGAAATGGGAAGTGTGTTTGAATTTATACGGCAGGTTCTGT  
TGATGGGATAGTTTAATTATTGATGTTGAGGGTTTATTGGAGGAGTAGAAGGAAGGCGTTTGTGTTGTTG  
CTGTAAATTGGGGAAATCAAGGAAGGGATGGGGAAGGTGTTTACGAATGATGGGGAGCCGAAGAAATTGAA  
GAGGAGAAGAAGGTCGAAGGGTTCTGGTGGGAAGTATTTGAAGCCGGTGCTTTGGCGCAGCTCAGGTGTA  
GCAAGGGCTCGGTTGCTAAATCTTGACTGATCTTGGGAGGAAGAGGGTGGCCGTGTTGGATGCTGGGAAG  
GCGAAGAGGAATGGGGTGCTTGAGGATAAGGTTTCTGATAGAAGTCCTTGATGTTGTCTCCTGTGAAATTG  
GTGATGCATATAAGCCATATTGGTACTCCAAAACTCCTCGGGTTGAAGACTGTGAATCAGAGTCACGGCTGG  
AATCTCTACCTATGGATCTATTGGTGAAAAACTTTGCCATTTACACCACGACCAACTGAGGGCAGCTTTTCAT  
GTCTCTCAACGAATCAGAAAGGCTGTTTTGCTGGCAAGGCAATTCCACTTCAATTACACAACCTCCAGATCGGTC  
CAGGCAGGAGATGTTGAGGATAACCACCCCTCGACCTACTGAACACTGGCCCTTTGTAAACAAGGGAGATGG  
CAAAGGGTTTTTCATTGCCAAGCCCTCACACTCCAAAAGCACCAAGGCATGGTCCTCGTCCACCATCTCGTCTCA  
AAGTTTCAGAGATGAGGCAGGTTGCTGCTGTTCTTTCAAGAATCAGCTTTTCCTCCAAGATGCATGGTGCCA  
TCTGTTATATCTAAACCTCTTGCAAATCTTGGGCCTCAACCGGGTCTGTTTTACGAGGACGAGTTATGCCCA  
GCTGTTGC

>trans\_c\_1148 AF385724|Arabidopsis thaliana At1g13990/F16A14.28 mRNA, complete cds

AAGGTACAAGACACGGAAGGGTTAAGGGTGAAGCTCATCCCCAAATTTCCCTTCATTCACGCCACCAGCTCTC  
CGATTCACATCCCCTTTCTCAGACTCCATTTTCACGTAATTAACACAATTCAGTACGCGACTCCAGTTTCAAATC  
AGCTCCTCAATGGATTCCCTCTCATCCGTCTCACCTTCCCTCGTTCTCCCTCCAGAAACCCTCTCTGCTCTCGC  
CGCCACCGAATCGCCGTCTCTTTTGGGGACCTCCGGTACCCTCTCCCTCGTGTTCGCGTCTTGTTCGGTCTCTGA  
TCGACGAAATTGCGGGAAATTTCTGTGGAGTGGGCGGTGCCGGCGCTAACCAAGGCGACAGCGACGCTGA  
AGATGATATGGAGCGGGCACTTAGCTTAGATGGAAATATTCTGGTACTTCAATGAGTTTGTGAAGCGTGT  
TCTTCTCGTGCTTATGATATGAGAAGGCATCTTCATCAGACGTTTGATAGCAGCAGTTATGACGTGTTGGAAG  
CCAATCCGTGGAGAGAAAGTTCGAAACCTGTATACGTACTAACACACAACGAGAACCAAAATATGCACAATGA  
AAACTCGGAGAAATAGGAGTGAGGTAGAAAGGGAACCTGGATTGTTGTTCTCTAAAGGTGGGAAATGGAGG  
CCTGAAATCAGAAAAACAGTCCAAAACAGGAATCAAATTTAGATGCTTGTTGGAAGATATTAGGGACGGA

GTACTTGTGTTTGAAGATGAAAATGAAGCTGCAAGATATTGTGACCTGTTGCAAGGTGGAGGCAAAGGTTGT  
GAAGGTGTATTTGAGATTGAAGCCTCCTCGGTGTTTGATCTCTGCAAGAAGATGAGGGCTCTTGCTGTCCTAT  
TCCGAAGAGGGGAGGACACCTCCTTTGCCTCAAAGCCTCGAGCTTAACCTCAAAGCTCGTAAACGATCACTTGA  
AGACCAGGACGAGTTGATATGAACATCGTATTTGCACAGGAAACATGGAATAATTGTGACATGAAATGCTAA  
TGGCAATCATACAGAAAAATGCAATGGTATACATACATATTCTCTTGGTGTAATATAAATTGATTCTCTAATGA  
TATTGTTCCAAACAGTGTCTACAAGATAAAGTAGAAAGATTTAGAGCGCGGAAGGCTATTTTCTTCCTTGATAA  
ATCTGCTGTCTATGAT

>trans\_c\_1149 FJ970489|Juglans regia cultivar Franquette aquaporin mRNA, complete cds

ATTGTCTTCACCTACTGAAAAACACACAGTATCCTAAAAGGAAGAAGAAATCATGGAGGGAAAGGACGAGGA  
TGTCCGATTGGGAGCCAATAAGTTCACCGAGAGGCAGCCCATTGGGACGCGGCGCAGAGCCAAGACGATG  
CCAAGGACTACAAAGAGCCACCACCGGCTCCTCTCTTCGAGCCAGAGGAGCTCACTTCATGGTCTTTTTACAG  
AGCAGGAATCGCCGAGTTTTTCGCTACTTTTCTTTCTTTACATCACCGTTTTGACTGTCATGGGTGTCGTCCG  
GTCCAAGGAAGCGGATGGTAATACCTGTAAGACAGTCGGGATTCAAGGGGATCGCTTGGGCTTTGCGTGGTAT  
GATTTTTGCTCTCGTTTACTGTACTGCTGGAATCTCCGGTGGCCACATTAACCCAGCGGTCACTTTTGGGTTGT  
CCTGGCAAGGAAATTGTCGTTGACTAGGGCGATTTTCTACATGGTCATGCAATGCCTTGGTGCTATCTGCGGC  
GCGGGAGTGGTGAAGGGGTTCCAACCCAAGCCCTACGAAAGGCTCGGGGGTGGAGCTAACGTTGTGAGCGA  
CGGTTACTCCAAAGGGGATGGCCTTGGCGCTGAGATCGTGGGTACTTTCATTCTTGTTTACACCGTCTTCTCCG  
CCACTGATGCTAAACGTAGCGCCAGAGACTCACACGTTCCGATATTGGCGCCGCTACCAATTGGGTTTGCAGT  
GTTCTTAGTCCACTTGGCGACAATTCCGATCACCGGCACCGGCATCAACCCAGCTCGGAGTTTGGGAGCAGCC  
ATCATCTTCAACAAGGACAAAGCGTGGGATGATCATTGGATATTCTGGGTTGGACCATTTCATCGGAGCAGCAT  
TGGCAGCTTTATACCATCAAGTTGTGATTAGAGCCATTCTTTCAAGTCCAAGTGAACATTATTCATCATCGTTA  
ATAAAAAGATTAAAACCCAAATTCCTAAATTTGAAATTAGGCCTAGGTTTTAATTTAAATCTCTCTCCATGCAA  
AATGCTTATTATATTATTGCAACTTTTTTTGTTTTGGCATCTTTTGTATCCAATGAAGTGTTAATTTAATGAATTA  
AGTGTTGATAGATTTGTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1150 NM\_124631|Arabidopsis thaliana OVA6 (OVULE ABORTION 6); ATP binding /  
aminoacyl-tRNA ligase/ nucleotide binding / proline-tRNA ligase (OVA6) mRNA, complete cds

AACACAGTTCACAGATGAAAATGGACAAAGACAACATGTATGGCAGACATCATGGGCAATTAGTACACGTTTT  
GTTGGAGGAATTATCATGACTCATGGAGATGATGGAGGTTTAATGCTGCCACCAAAGCTTGCTCCAATACAGG  
TGGTAATCATACCCATATGGAAGAAGGATGGTGATAAAGCTGAAGTTCTTAATGCTGCTTCTTCTGTAAAAGA  
ATTTCTGCAAACCTGCAGGGTTAAAGGTTAAACTTGATGAGTCAGACCAGAAAACCTGCAGGATGGAAATTCAAT  
TTTTGGGAGATGAAGGGTGTTCTTTGAGGATCGAGATTGGGCCCAAGGATGTTGCAAGTAAAAGTGTGGTC  
ATATCTTGGAGAGATATTCCTGGAAAGCAAGGGAAAGTTTTTGAATATCCATGGAACCTTCTGTTTTAGAAG  
CTTATGTGAAAGAGACATTGGATGAGATCCAATCATCTCTTCTTCAACAGGCAAGAACTTTTCGTGACAGTAAC  
ATTGTGGATGTGAGTTCATATAATGAACTTAAAGAGGCAATCTCCGACGGAAGTGGGCTAAGGGTCTTGG  
TCAGCTAGTGACCAAGATGAATTGAGAGTTAAAGAAGAAACAGGAGCAACAATTAGGTGTTTTCTTTTGAAC  
AGCCACAAGGGCCTAAAACATGCCTTATGACTGGTAACCCTGCCGAGGAAGTTGCCATTTTGCAACTCTTA  
CTGAGATATATATATCAAGGCATGCCGTAAAATCTCCAAGGGCCTTCAATCACATTCTGTCATATCTTAAAGG  
TCATGATAAATATTTTTGGGAGGAGGAGCCTTCCAATCAGTTCCTTAAGGGAAAGGCTCTAGCTAGTTGGT  
CCGCATTGGCATTGTCTTTTGAAGTTTGACATGTTTTTGTCTCAGCCTGCCTAATTATTTCTGTTGGCTCAA  
TCTTTCATTTTGGAGCCCTATTTAAGTGATCCACTATTTATGAACTAAATGGATTGACAATCTTGTTAAAGCA  
TCACTTAATTTCTGTCTTTCATTTACATGACATGAGCTTGTCCATTTTACGATGTTTCATCTTGTGAACATA

GCTAATGTATTATATTGAATATTTAACCCCTCAGAAATTTTGCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_1151 NM\_001054050|Oryza sativa Japonica Group Os02g0634800 (Os02g0634800)  
mRNA, complete cds

ATTATTGGAGAATTGACTAATACAAAAATAAGAAAAGAAAAAAAAAAGATATAAAAAATATTTCAATTCCCAAG  
ATTCATCATCACGAGAAGCTACGAATTACGGAAGACGGCCGGTGGTTGCTGATACGAATACAAAAGACCGCA  
AAGTACGTTCCATAGATATCATCTCCGATTAAGTCTTTGGCGCGTTTCCCCCTTTCCAGCATCTCCGAGCTGTCT  
CCAGCTCGTTTCTGGACGAAAAATCGATCTTATTGTTGATTAGGCTTTTCTTTGTACCGGTTGCAGTTTGTGCG  
CCGGTAATTTTGTGGTCCGAGAATTCTAGGCTTGAAACCGCGTGTTAATCTTGGAGAATCTATAATGCAGG  
CCTCAAGAGCAAGGTTGTTCAAGGAGTACAAAGAGGTTCAAAGAGAAAAGGTAGCAGATCCAGATATTCAGT  
TGGTTTGTGATGACTCCAATATTTTAAATGGACAGCCCTGATCAAGGGACCGTCAGAGACTCCTTTTGAAGGT  
GGTGTCTTCCAGCTTGCTTCGCGTACCTGAACAATACCCTTTGCAACCGCCTCAAGTGCGGTTCTTAACGAA  
AATTTTCCACCCGAATGTTCAATTTAAGACGGGTGAGATCTGTCTAGATATATTGAAGAATGCATGGAGCCCA  
GCATGGACTCTGCAATCTGTTTGCAGGGCTATAATTGCTTTGATGGCTCATCCCGAACCTGATAGCCCACTAAA  
CTGTGATTCTGGAAACCTTCTGCGTTCGGGGGATGTCCGAGGATATCAATCGATGGCAAGGATGTACACAAG  
GCTTGCTGCCATGCCCAAAAAGGGGTGATGTTCCGTTGCTCGGTTTCCTCTTTGCCAACCATTGAATTTGTCGT  
TCCTGCTGTCAAGAAGAAGATTGCAGAAAGTGCTATTGGTCACACCCACAAATTTGATAAAATCCAGACATCT  
TATGTAAAGTAGTAAAGCACATTCCATCTTATGTGTGTTTACTGTTATTTTCTGTTCACTAGATGGTCATAATAT  
GTTCTATGTATTGATAGTTCTGTCTTCAATATAAGAAATCAATACTTATTTAGATTTCTATTTCCATTTTGATGGA  
TCGTTTTTTTTTTAATTAAAAAAATGACGTTCAAATGTATTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1152 XM\_002310674|Populus trichocarpa 2-oxoglutarate-dependent dioxygenase  
(2OGox15), mRNA

AATTCTGAATAATTTGTATAGAAAAATTTTGAGTTCTAACCCCTCCGGGTGAGGAGGTTGAGCACCAACGGAT  
GTCTGTATAACTCCGACCCCTGTCTGGACGAAGCAGCCTTGCCGTCTTTACCGTCCATCTGTTCATAAAGCTAT  
CTACGAACCTCAAGCAAAATCATCCTATTTCTCTTTCATATTTCTTCAATTCAACACTAAATCATCAATCCTCACT  
CATGGCTACCGACTTCACATCCTTTCCCGTAATCGATGTTGGCCCTCTTATGGAAAAGAAAGATGATCCCCAAA  
TGGGAGAGGATGCAAATGTAATTGAAGTTGTAAAGCAATTAGACCAAGCTTGTAGAGAGACTGGCTTCTTTTA  
TGCGAAGGGCCATGGTATTCTGAATCCCTCCTTAGTGAGGTAAAGAAAGTGACGCGCATGTTTTTCCAACCTT  
CCTTATGAAGAAAAAATTAAGATCAAGTTGACTCCAGACAGTGGATACAGAGGATATCAAAGAGTAGGGGAA  
AACATAACCAAAGGAGTTCCAGATATGCATGAAGCTATAGACTGCTATAGGGAATTTAAACCAGGAATGTATG  
GAACTCTTGGCAAACTATGGAAGGTAGTAACCAATGGCCACTTGATCCGCCCACTTCAAGCAACTGATGGA  
AGAATATATCAACCTCTGCACAGATGTTTCAAGAAATATTATGCGCGGAATCGCTTTAGCATTGGGTGGATCC  
CCATATGAATTTGAGGGAGATAGAGCTGGAAATTCGTTTTGGGTTATGCGTCTTATTGGTTATCCTGGAATCTC  
CTCTTTGAAGGCCTCTGATGTCCCTGAAAATGACATTGGATGTGGGGCTCACACCGACTATGGTTTGTGACAT  
TGGTTAATCAGGACGATGATGTTACTGCACTTCAGGTGAGAACTTATCTGGAGAATGGATATCAGCTCCACC  
AATTCCTGGAAGTTTTGTCTGTAACATTGGTGACATGCTCAAGATCTACTCGAATGGGCTGTACGAGTCGACTT  
TACATCGAGTTATCAACAAATCTTTGAAATATAGAGTTTGTGTAGCATATTTCTATGAGACAAATTTTGACACA  
GCTGTAGAGCCGTTGGAAATTTGCAAGAATAAACAGGAGGAGAATCAAATTCAGAGAGCTGTTTATTGG  
GAACATCTG

>trans\_c\_1153 XM\_002868243|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

ATTGCCCCAGAAGTTCTGCTGAAGAAAGGATATGGAATGGAATGTGATTGGTGGTCCCTTGGTGCCATCATGT  
ACGAAATGCTTGTGGGATTTCCACCATTTTACTCAGATGAGCCAATGTCTACTTGTGCGGAAGATAGTTAATTGG  
AGAACTCATTTGAAATTTCCAGAAGAAGCAAACTCTCTCCAGAAGCCAAGGATCTAATTAGTAAACTCTTATG  
CAATGTTGAGCAAAGGCTTGGGACCAAGGGTGCAGATGAAATAAAGGCACACCCGTGGTTCAAGGGCATTG  
AGTGGGATAAGTTGTATCAAATGAAAGCTGCATTTATTCTGAGGTCAATGATGAATTGGATACTCAAAATTTT  
GAGAAGTTTGAAGAGACTGAAAACGCAATTCAACTTCATCAAAATCAGGTCCATGGAGAAAGATGTTGTCAT  
CGAAGGATATCAATTTTGTAGGTTATACGTACAAAACTTTGAAATCATTGATGATAATCAATTGCCCGGAATA  
GCTGAATTGAAGAAGAAGAGCGCGAAATCTAAAAGACCTTCCATCAAATCACTCTTTGATAACGAATCCGCAA  
TGGCTAATCAACCCGTTCAAGGAAGCTTTCTGAAACTCTGCCTCCCCAGCTAGAAGTCCCCGAGAAACCAAT  
GAACACAAATGAGAAGCATTATGATTTTAGCCCCGTTGTGCGAGTTACTTCCAAAGACCACAATCATCAATAC  
TTTTTGGTGTGAGTACCCTTTTGTAACTGCTAGTTTGGATATTTGGGTGAATTTTGGAGTGGGAAGAAGGGGT  
TTATTAGAGGGCAAAGGCCTAATTTGTTGGGAGTGATTAAGACAAATCAAACATTGGCTCTT  
TGGATCATCTGTTTCCATTGGTCTCTGTAAATATTTCCATGGAGGTATAGAGTTTCTTCCAACTCAAACT  
TGGTGACTTCTTATTCTTTCTTTCTTATTATTTTCCAACCCCTCTTTGTTGCAAGTTGCAAAGTTTCTTT  
GTTCAATTCCTAGCATTACTGTTCTTGTAATTAACCTACTTTGTTGTTGATAGTTTGTATCACTTTACATATGAT  
GGAAATTTTAGATTCATATTAACACATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1154 NM\_114583|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding (AT3G47160)  
mRNA, complete cds

GCGTTTTGCTTAGAGAGAAATTTCTACTTGAAAAATTTCCAGATTTTCCATTACGGAAAAATTTTCGTTTCTT  
CCTTTTCCAATTTGATGATGATTATGAAGATAATCAGTAGTGATTCTGCTCGAGATTTTGTCTACTTGATTC  
ATATTCGTTTCTTTGTTTCTTTGATCGAACTCTGTTTTTCCGGGAAAAATTCTACCGCCATGGGAAAGCTTTC  
CTTCAAGGATTTCGCTTAAAGCACTTGAAGCCGATGTCCAGCATGCCAATACGCTTGCTTTAGACTGTCCAAGA  
GAGAGTGATGGAGCTTGTGTTCAAATGAGATTATCATACAGCCCTGCTGCTCCTTTGTTTCTTTTCTTGTTCAA  
TGGACTGATTGTTACCTTGCTGGTGCATTGGGGTTGTTAAGAATCCTTCTCTATGTGACTTATCCCGATGGAAA  
GACCACCATGTCAATTTATGAGAGAAAAGCAAGCATTAAAGAATTTATGTGGTAATCTCCCTTCTCTTCTTCA  
ACTTCAAAAAGGCATCACAGAATTGGAAGATAGGAAGCAAAAAGAGGTCTGCAATGCCAGGTACAGCAGAA  
GGGATGAATTTGGAAGGGGGAACTGTCCGAAATCGACATAGAAAGAGAGAAGGAGTGTGGAATTTGTATG  
GAGTTCAACGGCATGGTTGTTTGCCCACTGCAACCATTCTGTGCTTGAAGTGTTATCGAGACTGGCGCG  
GTCGTTCTCAATCGTGTCCTTCTGTCGTGATAGCCTGAAGAGAGTCAACTCTGGCGACCTTTGGATCTTCACA  
GACAAGAGTGAAATGATTGACCTAGATTCCATTTTGCATGACAACTGCAAGAGACTATTTGCATACATCGATA  
AATTGCCATTGGTTGTTCTGATCCAGTGTTTCTTCTATTGATTCTCATATTAGGTAAGAGAATCTGTGAGTAT  
TAGTGTTCTTATCCAAAAGTTATATGTGAGTATTATTAGGTGAACCTTGTGTATATATAATTATAGGTTGA  
GGAGATAAGTTAGGAAATGTAAAAAGGGTTCTTCTCTGGCTAATGGCTATAGGATGATGCTTTGCTAATTTT  
CAGTTTCTTAGCTTATCAAAGTGAATGATTTTGTTCACCTTTCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_1155 AF435969|Amorpha fruticosa UDP-glucose pyrophosphorylase (ugp) mRNA,  
complete cds

CTCTCGATGTACTATTATCAAAGGGTAAGGAGTTTGCTCTCGTTGTTGGCTCAGATAGTGTGGCCGCTGTTATT  
GACCCACAAATCTTAAATTATTTGATCCACAATAAGATCGAATTTTGCATGGAGGTAACACCTACAGCTGCATT  
GGAATCAAGTAGCAGCTCTAATTCAACTCCAGAGAGGTGTCAGCTTGCGGATATTGCTTTAGATTCAAGACAG  
CCAATGGACAAATACAAATTTCTGATACAAGAACTTGTGGCTGAATTTGACTGCCGTTAAGAGACTAGTGG

ATACAAATACACTAAAGATTGGGAACTCATTTTCAGAGGTCGGAAGCAGCGATCAAATGCTCAGGCAAATAC  
TGCAGTAGGTTCAATGATTAAGGTGTTTGATCGAGCTGTTGGTATTAATGTCCCACATTCTCGTTCACTACAAC  
TGAGTTCAACTTCGGATTACTTCTTTTACAATCAGACCTATACACATCTAATAAAGGCTTAGTAGTTCGAAATG  
CAGCTAGAGCTAGTCCTGTAAATCCATCAATTGACTTAGGTCCTGAATTTGAAAAGATTAATGATTTCCAAAT  
CGATTCAAGTCAATCCCCAGCATTGTTGAGCTGGATAGCTTGACAGTAAGAGGAGACGTATGGTTTGGATTGG  
GCGTCACTCTCAAGGGGAAAGTTAGTATTGTCGCAAAACCTGGGGTGAAGTTGGAAATCCCAGATGGTGCAG  
TGCTTGAGAATCAGGAGATTAACGATCCCGCAGATATTAACAATGAGATCATATCTTGTCAAAGCATGAAGC  
TTTACCAGAACAATGTTCTTTCCTCATATACAACTGAGTTTTGGAGCTCTTCCCTTCTCCAGAAATTTCTTCAA  
TCTCTCATTTCATTTTCAAGAATTGGATATAGGAAGTCATGGCAGAGCAGCGAACGTATTCTTTCATTAGTGCT  
AAACCAAAAAAATTCAAAACACATTAGCCTAGCCATGCCTCTTGTAACTTCATGAGTGCAATAATTTAGCCTC  
GACCCGATTTATGCTTGTTGTCACATAAGAGATGATGGCTCATTATAAAACGGATATCGACTTGTTTCATCATT  
CAGTAAGTTGCTGAGATCGTTATATAGATTAAACATAACGTTTTTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_1156 NM\_124930|Arabidopsis thaliana SVL1 (SHV3-LIKE 1); glycerophosphodiester  
phosphodiesterase/ phosphoric diester hydrolase (SVL1) mRNA, complete cds

TCAGACAGCCGTTAAAGTATTGATTCAATCTCCAGATAGCGCTGTTCTAATGAAATTTAAACAGGAAAATAAA  
AAATACGAGCTTGTTTACAAAGTTGACCCACCAATTAGTGATGTGCTCAATACAACCTGTTGAGGACATTAAGA  
GTTTTGCAGACTCCGTAACATACCAAGAACTCCGCTCTCCCTGTAAATCAGTTCTTCTCACTGGAGCTACAA  
ATGTTGTGAAGAAGCTGAAAGCACTCAATCTCTGTATATGTGGACACCTTCAGCAATGAATTTGTCTCTCAA  
GCATGGGATTCTTCTCAGATGCAACAGTAGAGATCAACTCATTTGTTTTAGGAGCCGAAATTGATGGAGTCA  
TCACTGACTTTCAAAGACATCTGCTAGATATAAAAAGAACCGATGCTTAGCAATGAAAGAAACACCTAATTA  
CATGAGCCCTGTCCAGCCTGGTAGCTTGTTGCAACTTGTTACTCCAACTACTTGCCTCCAAAAACACCTCCGA  
GCCCCGTTCTAGATGACAAAGATGTAGCTGAGCCACCATTGCCTCCGGTTTCAGCCAAACCCCTGCACCTGCT  
GGGGAAGGTGGCTCGACAGCAGCACCTCCAACCTTCTAAACCCAACGGACAACCTAAGCTTGAGCTGGAGCA  
GGCTTCTTGCTCTTGAACCTTGCCATACTTTCCATTGCTCTACTTCCATTCTGAGAACGATAGCAGCATGTGCTC  
GGATTCTTGCTCGTTTCGACTGTAAATTTCATATCTTTACTGTATTCTAGAACCGAGCTTTGTTAGTTCAAATTC  
TTTTTCGTGATTCGGTATTTAATCTTTGCACTTTCCTGCCTGTAGGTATCTTTAGTTTCTTCCCCATGCTAAAAA  
ACATCAATTCTTGAGAGGGTGCATTCATGATGATGGATTGATTATATTTGTAACCAATCTTTCATTTTTGCTC  
TTTTTGCTTTTGTAACCTGTAAGTTATGATTGTGATTATTTCTTTGTTGTATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_1157 NM\_114727|Arabidopsis thaliana GAMMA CAL2 (GAMMA CARBONIC ANHYDRASE-  
LIKE 2); transferase (GAMMA CAL2) mRNA, complete cds

ACGAGCTGAATCACAGACCACGCTCGCTCTCTGCTCTTCCCATGGCAGCTCTAGCTCGTTTCTCCCGCAAGGCT  
ATTGCCTCAGCGGTTGCCACCAATCAACTCCGCCGTGCTTCTCGACGGAAGTGTGAAAACGATCACGCCTTC  
ACCGGATCGAGTCAAGTGGGACTATAGAGGTCAAAGACAGATAATCCCGCTCGGTCAAGTGGCTCCCCAAAT  
CGCCGTCGACGCCTATGTTGCGCCTAATGTTGTCCTTGCCGGACAGGTTAAAGTCTGCGACGGGGCCTCTGTT  
TGGGCCGTTCCGTTCTCCGCGGCGATCTCAACAAGATTACAATCGGGTTTTGCTCTAATGTGCAGGAACGGT  
GCGTCCTTCATGCTGCTTGGTCCTCCCCAACAGGACTGCCGGCAGAGACATCTATAGAGAGATTCGTCACAAT  
TGGTGCTTATAGTCTGTTGCGGTCTGCACAATTGAGCCAGAATGCATTATCGGGCAGCATTCCATCCTCATGG  
AAGGTTCCCTGGTTGAGACCCACTCTATTCTGAAGCTGGGTCCGTGGTTCCCCCAGGAAGGCGAATTCAC



TGGTGAACTTTGGGCAGGAAACCCAGCAAGGTTTGTGACAACGTTGACCTATGAAGAGAAATCGGAAATTCC  
TAAACTTGCTGTTGCAATTAATGACCTAAGCAAGGATCATTCTCAGAGTTTCTCCTTACTCAACAGCATACTT  
GGAGGTTGAGAAATCAAGAAGTCCTTGGGTATAACCATATGATGCAGCCTGTCTTCTTATCTTTGCATTTTGT  
TTGTTGAAGAAAATAAAATATCTCCAAAAGATAAACACAGCTTTAGATTATAAGGTTGATGTTTATGTTATCACCTGGATTCTCGTTGGT  
ATCGAGTTAGGATCAAATGAATTTTCTTAGATTATAAGGTTGATGTTTATGTTATCACCTGGATTCTCGTTGGT  
GGGTAGTTAAAATCCGCCAATGACTTGTAATCTCCCGTTGTATGTTTTTCACATAACATTTATATGTTAGTTCCC  
AATGATGCATCTGGGTTTTACATTTGCCATTTCCAGGTAAGTGTTCAAACTTGGTTAAGAACTGACTCTGTAAAT  
GTTTCAAGGAATGTCTGACCACACGACAACGCCTTCCCTTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_1158 DQ535894|Pisum sativum Tic21 mRNA, complete cds

ACTGTGGGCTCTCTGCCTGCAGCTCTATCAAAATTGCATTTGATCCTCAATCATGCAGTCCCTACTCTCCCCGGT  
GGCTCGCACTGGTCCCTTCCCGCCACCGCCGAGTTTATTCATCGGATTTTACCTCAGCCGCTTGCATCGCC  
GGCCCTTCTGTCCGCACTCCTTCAATTCCTCCCTCAATTTAGTGCCATTTATCATCATCATCATCATCATC  
TTCTTCTTCTTCTTCTTCTGTTGTTGCTTTTGAAGACTTTTGGTACTCTGGAGCATAGAAGAGGACAGCTTTGCTC  
GGAAACACGCGCTTCTTAGTCCCATTTCCCAACTGTTCCCCCAATGATGAGGCTGAAAAGGCAAAACTG  
GCTCAGGTGGCAAAGAGATTAGAGAAGACATCGAGGTATTTCAGAGGTTGGGCAGTCTTGGATTTTGGGGA  
CAGTTGGTGTGCACAATTGTTGCTGCTGTTATTCTTTCATTCTCTGTTGTTATCACTGGGAAAATTGCATCACCT  
GCCACCTTTTATGCTACTGCTGGTGGCATTGTGGCAGCTTTCATTTCTGTATTTGGTCATTTGGTTACATTCGG  
CTTTCTGATAAACTTCAACGTACTGCAAATCAACCCTCCAAGGCTCCTCCTCGAGCCGATGTTGTGAATAGCCT  
AAGAAATGGAATAGTAGTAACTTGTAGGCATGGGTGCTGCCATTCTGGGGATGCAAGCAACGGTGGGATT  
GTTAGTTGCTAAGGCTCTTACCTCCTCAGCAATTCCATATTACCAGGCTGCCTCCCCTGGAAATAGCCCTGTTCT  
TGCTTTGGATGTATTCCTAGTACAGGCTTCTGCAAACTATTCTCTCTATTTCTGCGGGCTCGTTTTCTCCTTA  
GAGTACTGCGCTCAGTGACATTACCTGCTACGGATAGTATTCTATACCCGAATAGCATAACCTCCACCATC  
ATCCTTCTAGCCAGTTAATGCAGCAATCAATTCGGCATCAGAGGTGACATGATATGAATAGCTCGCGGGTTTA  
GTATTCATTTTCAAGCGTAATCAGAGGCATTTGAATGTTTGTTCGCTCATCCCCTGGGGTACTCTTGTATGAG  
ACTTGGTCCTTGAAGATGTTTTGCTGCGGGTAGCTAAAAGGAAGTTAATGTATTTTGTATTAGATGAC

>trans\_c\_1159 XM\_002889297|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATSEC1A, mRNA

TCGCCTACAAGATCCGGCTGGTTCCGGTGCCGGAGACGGTCACTATATTCCGAGTTGAAAGAACTATAGAACA  
AAACGCTGCCGATTTAGTCGTCAGATGGCAAGAAGTAGCTCCGACCACCGACGAAAATCTGTTTCATGAGGCTA  
CTTTTACAGCCAGTTTCCAGTAAAATAAAAAAGGGGACTCGAACAATCAGAGCCACTGTCATCGCCTTGTTCTT  
TGGGAAATCGGAAGAACTCGTTTCTTATTGAAAAAGAAATCCCGGAATTGGGTTTACAGAAAGAGAATTGT  
ACTGAAATGAGTTGGATCGACTCTGTTCTTTGGTGGGGTAATTTTCGATATCGGAACTTCACCGGAAGCTCTACT  
TGATCGGAATGTCGATTCAGCAGGGTTTCTCAGAAGGAAATCGGATTACGTTTACGAAACCCATTTCCAGAGAT  
GGGTTGGATTGGTTGTACAAGAAGATGATAGAAATCGGCAAAACAGGGCTGGTGTTCACCCATACGGGGG  
AAAGATGAGCGAAATTTTCATCAACGGCAACTCCATTTCTCACCCTGCAGGAAATTTATACAAAATCCAATACT  
CGGTGAACTGGGACGAACCAGGGCCGGAAGCAGATCAGCAATTTGTGAAGCAAATAAGAAGGCTGTACAGT  
TTCATGACCCCATTTGTTACAAAGAATCCAAGGCAATCGTTCTTGAAGTACAGAGATTTAGACATTGGTATCAA  
CAACAATGACAAGAACAGCTTTGAAGACGGAAAAGTTTATGGGTTCAAGTACTTTGGTGAGAATTTTGAAG  
ACTAGTGAAGGTGAAGACGGCTGTAGATCCAGAGAATTTCTTCTGGAACGAACAGAGTATTCCAATCTTTCA  
AGTAAGCCATGAGAGATGGTACTGAGATTTAATGTCGGTTTATCTACATTATGATTTTTACTTACATTGCATTG  
TAATGGCAATGTGAGAAGATGGGTTATTTTATTGTTTATGTAACATACAAAAAATTATATTGTTTTGATTAGAATG  
AATGTCTTGGTTTTTTTTGTGATGGAAACCAAGATATTGATGTATGGACTTGATAGTTATCTACAACATTTCTC

TATACGTTTGTATGAAAATGAGTTAATGGTAAACATAAAAAGTTTCTGGCACTGGAGCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1160 NM\_202970|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein  
(AT4G37210) mRNA, complete cds

CAGTCAGTAAGAAGGATCAGGATGAAGAAGAACTGATGATAGTGATGCTGAGGACTTGGCAGATGCAGAT  
GAAGATGAATCTGACCTTGATTTAGCTTGGAAAATGCTAGATGTTGCCAGAGCAATCGTGGAAAAAGACTCA  
GCTGACACTATGGAGAAAGTGGACATACTCTCAGCCTTGGCAGAAGTTGCATTAGAAAGAGAGGACATTGGA  
ACTTCCCTCAGTGACTACCAGAAAGCGTTATCAATTTAGAAAGACTTGTTGAACCTGACAATCGACAGCTTGC  
TGAATAAATTTCCGTGTATGCTTGTGTTTGGAGTTTGGTTCTCAGCCGCAGGAAGCCATTTATATTGCCAGA  
AGGCAATATCAATTTGCAAGTCACGTGTGGTGGGCTCACTGACGAAGTAAAGAGTCTCATTGTACCAACGAC  
AGCTTCGTCTACATCAGGGTCAGAACCAGAGATCCCACTATCCTCCAATGGCTCCAGACTGACAACGAAAAT  
GCTGCAACGGAGAAACAATCTGAGATTGAACTCTATCTGGGCTTTTGGTTGAGCTAGAAAAGAAGCTTGAA  
GATCTTCAACAGCTGGCCTCAAACCCAATGTCAATTCTCTCAGAGATCCTCGGTATTGGATCAGCAAAGCCAAA  
TATCGAAAAGATCACACCTCCAGTTCCATCAGTGTTCAACTCCTCACAAATGGGTTTCACTAACAGCAATGGA  
GGATTGCACTCTCCAACAGTCTCAACTGCCACACGAACGGCGTGACGCACCTTGGTGTGTTGGAAGAGGA  
GTGAAACGAGTATCAACAAATTCAGAGTCTAATGACTCGAACCCAACGAAGAACTGGCAAAGATTTATCAT  
CACAAGATAAAGGCGACAGTAGTTCCGCCTGAATGTTCTTGAACCTCGTCTTGAGAATCAGATATTCGAAAAA  
GTGCATAGAGCAGTAAACAAAAGTAGATTAGAAAAGAGGAAAAAGAAAATCTTCTGCCTTTGGGTGTTATG  
ATTTTCATGTATGTTTGTATTATGTTCTACTAGAATTTTACACTTGAATCATCATCATGTTTTTCCAGACTCCTTA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAAAAAGCCCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1161 NM\_001063402|Oryza sativa Japonica Group Os06g0158600 (Os06g0158600)  
mRNA, complete cds

AACCTCCATCATCGTCCTCTACTCTCACGTGCTCCACCACACGTCTTCTTCTTCTTCACTCCGTCTCTTCCTC  
CCTTTCAGCAGCACATTGTCGCCGCCCTCTCTCCCGTTCAGTGCTACTGCCGCCGTTTCCGTTGCCGTCTTTT  
CTCTGCTCGTGTCTGTCGCCAGCCTCTCTCGAACAGCAGATAGTGAGCAAGTCCTCTTCTAAGCTTTAAAGCATTG  
AAATTGCACCCGAGTAAGCGAGAGAATTTAGACAGCCATTTGGTGGCACAACCTTCAATTTTTTTCTTTCAATC  
AACGAGATGGGGAGGGCCAAGAAAGGACCCAAGTTTGAGTCATGAAGAAGATGGTCACCTCTAAAGCCATT  
AAAAACTACAAGCAAGAGGTCTTGAATCCAAAAAGAAAAGATCTTACGAAAGAAAACCTCCCAAGAAATGTT  
CCAAATGTTCTTCCGCACTTTTCTTCAAGCACAACTGCATTGGGGCCACCTTATCGGGTCTTGGTGGATAC  
AAATTTTCATCAATTTCTCCATTCAAACAAATCGGACTTGAGAGAAGGGAATGATGGACTGTCTATATGCTAAAT  
GTACTCCTTGATAACAGACTGCGTGATGGCTGAGCTTGAGCGATTAGGTCAGAAGTATCGTGTTGCTCTTAG  
AATAGCTAAGGACCCACGATTTGAGAGACTACCCTGTACTCATAAAGGAACCTATGCTGACGATTGCCTTGTT  
GAAAGGGTGACTCAGCATAAGTGTTATATCGTTGCTACTTGTGATAGAGATTTGAAGCGTAGGATTCGCAAGA  
TTCCTGGCGTACCCATCATGTATATACTCGACATCAGTATTCGATTGAGCGGTTGCCTGAGGCAACAATTGGA  
GGAGCTCCAAGGATGTAATTGTGGGACTTCACAGTGATGGACAAAAAAAAAATTCTTGAAGAGGTTTTTCCCC  
TGACCTCCAACCAACTTTTCCCAAGAGAAAATTAATTAAGAAAATATTAGTAGGCATTGGTATCATGTAA  
TTTCTTTTGGCTTAGGATCTGTTTCTTCTGTTGTCCCTCATTTCTACAATTATTTGATTTTCTTTTACGTATAG  
TTTATGTACCCTCTAAAGAAGAAAAAAATGCTTCTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1162 AF251013|Tagetes erecta zeta desaturase mRNA, complete cds

GTGGGATCCTGTTGCCTATGCTCTTGGATTATTGATTGTGACGACATCAGTGCCCGCTGTATGCTTACTATCTT  
CTCTTTGTCCGCTACTAAGACCGAGGCTTCTTTGTTACGCATGCTGAAAGGTTCTCCGGACGTTTTTTTAAGTG  
GGCCCATAAAGGCAGTATATCACGGACAGAGGGGGCAGATTCCATCTAAGGTGGGGTTGCAGGGAGGTA  
TATGACAAATTCGAGATGGAGAACTTATATTGCAGGACTGGCGATGTCTAAGGCCACAAATAAGAAAGTT  
GTGAAAGCTGATGCTTATGTAGCAGCATGTGATGTCCCTGGAATTAAGGTTGATTCTTCACAATGGAGAG  
AATGGGAGTTCTTTGATAATATTTATAAGCTAATAGGAGTTCTGTTGTCACCGTCCAACCTCGGTATAATGGA  
TGGGTGACAGAATTGCAAGATCTAGAACGTTTCGAGGCAGTTAAGGCAAGCTGTGGGGTTGGATAATCTCCTT  
TACACTCCAGACGCAGATTTCTCGTGCTTTGCAGATCTAGCACTAACCTCTCCCGAGGATTATTACATTGAAGG  
ACAGGGATCATTGCTTCAATGTGTCCTCACGCCCCGGGGATCCTTACATGCCATTGCTAAATGATGAGATTATAG  
CAAGAGTTGCAAAACAGGTCTTGATTTATCCCTCATCACAAGGTTTAGAAGTAATATGGTCATCTGTGGTC  
AAGATTGGGCAGTCTCTATATCGCGAGGCACCTGGCAAAGATCCCTTCGCCAGATCAGAAAACCCCAATTA  
AAAACCTTCTCCTTGCTGGGTCATACACAAAACAGGATTACATAGATAGCATGGAAGGAGCAACGTTGTCAGG  
GAGGCAAGCTTCTGCATATATATGTGATTCTGGTGAGGAATTGATGATGCTAAGAGAGAAGATTGGTGACAT  
TGAATCTGAAACTGCCAAATCGAGTGATGAGCTAAGTCTAGTTAGCCCATGAGGATTCACTGTTTATGATGT  
AAACAAAGAGGCATAGTGTAATAATCAATCATAGTAAATTATAATGCTAGGGCCAGCTATTTCTTTTGTAA  
CCTGCGAACAGCTCTCTCCACCTCTAAATGAAATAGCCCATCTTGTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_1163 NM\_180449|Arabidopsis thaliana zinc finger (CCCH-type/C3HC4-type RING finger)  
family protein (AT5G06420) mRNA, complete cds

AGTCAGCGTCTTCACTTTTCTTTACTTCTCTCTACCCGCCGGCTAGACGAAACATATCCCCGCGGACGCCAC  
CTGACAAGTAGCTCCGGCGGCGGCACGGTTGATAGATCCTCGAACGACCACGGGGAGACCCAGAGTGGCAC  
GACTTCTTGATCTGCATTGATCAGATCTGTTGGCCGGGACTCCGAGCTGCAACCCTGCACCGACGCCATTCT  
ACCATACGAGGGCTTGAAAGATAAGTTGATTAACTTGTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTCCATTGTAGCATCTATT  
AATTAATCTAGCTGGTCTTACTCTCGTATACAATGACAGATACAGGTGATACCCAGCCGTCTGAACAAGTCTGT  
AGCTTCTTCAGAAAACCCACCAAAACAAACATCAGGAAGCGGACGGTTGATGAAGACGAAGAGGAGGAC  
TCTAAAGCTGAGACTTCGTTTCTGCTAAACCAGAAGAAAGCCCCCAAGACTGAAAGCAAGCTTTATTTTCTTC  
TGGACCTTCTAAAATTCAATTGTCTAATGAATCCAATGTGGAACCTAATAAACCAATTTCCAATTTGAGTCTTC  
AAAGGAAATTCAAGTTCACCATGATAGCAGAGCAACTGCAACCCTAGAAACAGAGACTGATTTCTCAAGAGAT  
GCACGAGCCATCCGTGAGAGAGTTTTGAAGCAAGCTGAGGAGGCTTTGAAGGGGAAAGGCAAGAGCTCTGG  
TGGTGAGAAGTTGTATAAAGGGGTCAATGCTTATGTTGATTACAAGGCTGGCTTCAGAAGGGAACATACAAT  
TTCTAGTGAAAAAGCTGGTGGAGCACATGGGCGCTTAGAGCTTCTGCTCACATAAGAGCATCAGCGAGATTT  
GATTATCAGCCTGATATTTGCAAGGATTACAAGGAGACTGGTACTGTGTTATGGAGATGCGTGCAAGTTTT  
ATGCATGACCGAGGGGATTACAAGTCTGGGTGGCAGTTGGAGAAGGAATGGGAGGAAGTAGAGAAAGCAA  
GAAAGAGAAAATTAGCTATGAAATCTGATGATGGGGATGAGGATTCTTCGGAACAAAGTGATGAAGATGAA  
GAAGGTGCATTGCCCTTGCTTGTTTTATTGTGCGGAGCCTTTGTGGATCCTGTTGTGACAAAGTGCGGGCA  
TACTTCTGTGAGCA

>trans\_c\_1164 AY101533|Arabidopsis thaliana At1g14810/F10B6\_6 mRNA, complete cds

ATATTGCAGTTTTATTTGGTATTCAAGTGGGTTTTACTGGCCGCTCCTCAGCTCCATTGAAGCTTTTCTTTCTCT  
CCGCAATGGCGGCTCTGTATCTTCTTCCATCCTCCTTCTTCTTCTCCACTGCTTCTCCTCACCTAAACC  
AACCCGCTTCTCTAGACTTGTTGATGCTTATCAGGAGAACGCTCCTTCTCTCGCCGTCGTCGGCGTCACCG  
GCGCCGTCGGCCAAGAATTCCTCTCCGTCCTTCCGATCGCGATTTTCTTATCGCTCCATCAAGATGCTGGCCT  
CCAAGCGTTCTGCTGGAAAGTCCGTTTCGTTTCCAAGGTGAAGAGCATGTTGTCGAGGAGCTCACCGCGGATA

GCTTCGATGGTGTGGACATTGCTCTCTTTAGCGCTGGAGGATCCATTAGCAAACACTTTGGACCGCTTGCTGTT  
GAGAAGGGAACTATTGTTGTTGATAATAGCTCTGCGTTTCGAATGGATGAGAATGTGCCTCTTGTTATTCCGG  
AGGTTAATCCTGAAGCTATGAAAGGGATTAAGGTTGGAAATGGCAAGGGCGCTTTGATTGCTAATCCTAATTG  
CTCAACTATCATCTGTTTGATGGCTGTTACTCCTCTGCATCGTCACGCTAAGGTGTTACGTATGGTTGTTAGTAC  
ATATCAAGCAGCTAGTGGTGCTGGTGCTGCAGCAATGGAAGAGCTTGTGCAACAACTCGTGAGGTTCTTGA  
GGGAAAACCACTTGTAAATATATTTAGGGACCAGTATGCTTTCAATTTGTTCTCCACAATGCATCTGTTCT  
TTCAAATGGATACAATGAAGAGGAAATGAAATTAGTAAAAGAAACCAGGAAAATATGGAGTGATGCAAATGT  
TAAAGTTACTGCCACTTGATACGAGTTCCTGTCATGCGTGACATGCCGAGAGTATAAATCTTCAATTTGAGA  
ATCCCCTTGATGAGAATGCAGCCAGAGAGATTCTGAAAAATTCTCCTGGAGTGGTCATCATTGACGACCGGAA  
AGCCAACCAAGTTTCTACGCCCTTGAAAGTATCAAAAAAAGATGACATTGCAGTTGGAAGGATCAGACAGGAT  
GTTTCATTGATGGAAATAAAGGATTGGACATCTTCATCTGTGGAGATCAAATACGCAAGGGCGCAGCGCTTA  
AT

>trans\_c\_1165 XM\_002320310|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ACGACGACGACGACACTCTTCCACTTTCACCACCACCGACCCTTCCCCTTCTCATTCTTTTTCTTTTTCTTCTTCT  
TCTTCACTCTCTTCCATTTCCAAACCTCCTTCCCCTTCTCTATGGCCGGTCTCTCTTCTCTACCTTCCCGA  
GGACATTCTTCTCAACATCTTCTCAAGCTCGAAGACGATCCCCGCAACTGGGCTCGTTTAGCTTGTGTTTCCAC  
CAAATTCTCTCCACAATCCGCAACATCTGCTGGAAAACCAAGTGTTCACGCCATCCCTTCTCTCGTTCCCGA  
TCTTCTCGTCGGCGACTCTATTCTGCCGGTGGTTGGGCTTCCCTTCACAAGCTTGCTGTTTGTGCTGGTCT  
CGTCCATTCCGGTGTTCTTCTCGAGAATTCTGATTTTGGGCTCGAGCGGGAAGTGGGTCCGGATGAAAATTAC  
ATGAAATTGGGTATTCTCAACTCCCAACCCGAATCGGACCCCCCTTCTTCTACGGCTTATTGAGGTTAAT  
TCTGATCTCTGCTTCTGCTTCTGCTTCTGATTGTGCTTGGTCTCTTACGACGATCTGTATTTGGACA  
CTATGTATAATGATTCTGAAGCCCCAGATGTTCTCGACCCTCAAATTGGTCTACCAAAGTGGAGAAAGGGGT  
TTTTATGGCGGATAGGGAATTTTGTGTTTCCAAGAGGAGGAAGATCTGTAGGTCTATGAGATCGCATTGGCA  
TCTGGGGTTTGAATTTAAGCAGGGAACAAGGGAATAAGCTGCTTCGGAGTCGATTCGAGGTGATTCTCTTT  
ACATTTGTGATTGGCCTGGATGTGTTCAATTGAAGAGAAGCGAAATTACATGCTTTTTAGAGGGATTTTCAA  
GAATTTCAAAGGTCTCATGTTTGGAGGACCATAAAAGATGGGAATAGGAACAAAATTGATCTGAATTGTGC  
GTTTTGTTCTGTAAAGAGACTTGGGATCTGCATTCTGCCTTCTGTTTAAGGCGGGTTTTTGGTTATCATGATG  
ACGGTGAGCCAGTTGTTGAGCTTATGTCTGTGAGAATGGCCATGTCTCTGGAGCTTGGACAGATCTGCCATT  
GTACACTTGATTTTCGCTTCTGCTTACCTATCATTCCTCATTCATTCCATTAAGAAACATTAGAA

>trans\_c\_1166 NM\_122273|Arabidopsis thaliana sterile alpha motif (SAM) domain-containing  
protein (AT5G23680) mRNA, complete cds

GACTAGCGGTGATAGGAATGGGAATGGTGGGAGAGGGCTGTGTGGGGAAGATGGGGTTAGAGTTTGGCTC  
AACGGCTTAGGGTTGGGTCCGTATGCTCCAATTTTGAATTCACGAGGTGGACGATGAGGTTTTGCCGATGT  
TGACACTCGAGGATCTCAAGGATATGGGAATAAGTGCAGTTGGGTTCGCGGAGAAAAATGTACTGCGCAATAC  
AGAAGTTAGGGAAGGGATTTTCATGAGTCTGATCTCAAAAACATGTAACCAAAATTCAGACATGGCAATGT  
AAGCTGCTGCATGCCTGAATTAATCTTTGAACATTTTTGCTGCTACATTTTCTCGTATCGGACACTGTAGGTTCT  
TTTGGCAGACTTTCATATTTCTGATTTAAGTAACTTACATCTTCATCTTCTATACTGCAATTTTCCCACAAA  
TCTTTTTTCATATCATCGTGAAAATATATGGTGAAATAAGATTACCGATAGTGCTTGCTACAAGATACAAAAG  
AACCAAAAAATAAACCATTTCTTGCCGCATTCTGGGATGCGGATGAACTGATTCCACTGCCTCTAATATAGCGTT  
TGACCATTCTGATTTTATAATAATGTCTCTTGGTCTTACATGAAAAGATTCTGCATTTTGTGTTCTCTTCAAATA  
GTACAACTACATTAGTCATCTGACCAAGTTTTTCCGCTCTGGGAACTGGAAGCTGATGTGAAATTGTGGTCTTA  
AATGTGGTGACTCCGCTCGTGAGTTTGTGTTGCCAAGGAATGCTAATCCCCAAGGTAGTCTCCATTTCCAGAGA

TACGAAGAAATTACTTGAGCTACAATCTATACTTCATTTTGAAGATTCACGCCAGTTTTAGTTTGCTGAAGATT  
GAAACCCACTCCTTTGGGAAGAGAGTTTCATTTCCCAAATACAAATTGTTGTAGTAAGTAGATGTTTGTGTTGAG  
TTGTTGAATCTTTTGAATTTTTTTTGGTATGTAAACGCTGTGCGCGTCTTCTCCCTCATCCCCCAAATTAGC  
AGAGGAGAGGGAATGTGGCACTCCCAAATTAATCGATCCCCTAATTCAGCATTTTGTGGGAATTGAATTTGG  
CACTCTGTTAATAACAATTGGTCTTATTGTATTTGACAAAAAACAAAAA

>trans\_c\_1167 AF419593|Arabidopsis thaliana At2g39210/T16B24.15 mRNA, complete cds

CATCTTCATCGTCATCGCCGAAGACTACAAATCTGGCGCGTAAACTATCTCAACTCCTAAATCCTTCTCCACT  
CACAATCATCACCAAAAAACCAACACCGCCGCCGCCGCAAAACCTCGAAACCTCCGGCATATCCCCTGCCGGG  
AAGCCAACGTCATCAACGCCGTCCTGCTGGACAACCGCCCTGAAGCCCCCTCAAGAGGCGAAGATTACACGA  
TTCTACAAGCGCTCTTCAGCGCCGACATGTTCTCTCTTCTCTCCACCGCGTGCGGCGTCGGCGGCACTCTC  
ACCGCCATCGACAACCTCGGCCAAATCGGCGCTTCTCTACAGTATCCTAAACGGAGCATTAGCACGTTTGTATC  
ATTAGTAAGTATTTGGAATTACCTAGGGCGCGTAGTTCGGGTTTACCTCCGAAATTTTCTCACCAAATACA  
AATTCCTCGAACCTAATTCTAACCTTAATTCTCTCTCTCTGCGTCGGCCATATCCTAATCGCCTTCAATCC  
TCCTGGCGGCCTCTACTTCGCTTCAATCGTAATCGGATTCTGCTACGGCGCTCAATGGCCGATTCTATTCGCCA  
TAATTCAGAGATCTTCGGCCTCAAACTATTCCACGCTTACAATTCGGATCCGTTGCGAGCCCAATCGGG  
TTGTATTTGTCAATGTTGAGTCGCTGGACATTTGTACGATGAGGAGGCGAAGCGGCAGTTGGCGGCGTCC  
GGGATGAAAAGGATACCCGGAAAAGAATTGAACTGCGTTGGTGTGAATTGCTTTAAATGTCGTTCAATATAA  
TCACCGGAGTTACGTTGCTTGGTGCTCTGTTCTGTTTGGTTCTTAGAACTAGAGCGTTTACAAGACTG  
ATATTTATAGGAAGTTTAGGGAGGAGGTTGAAGAAGATGAAGCTGGTGGAAATGACGTCGTTTCGAGTAATA  
AGTAAATTAAAGGTGGCTTATTGTTGGACATTTGAATTGGATCCATCTCTGTGAATTCGACTCCGATCACTAG  
ATATATAGTTTCTAAAGTATTTTTTAAGAGAAATTAATAGTTAAACGATGGAGTGAACTTTGCTCGATGCATC  
TACGCAGCAAAGTATTTTGCTCATTTTTTTGTTATATTACTTTAATTAAGTTGTAGATTATTGGTTGTTATCA

>trans\_c\_1168 BT004613|Arabidopsis thaliana At5g60800 gene, complete cds

CCCCCCCCGGGGTTAGAAAGGGAGGGGGGGGGGGGGGCCCTTCTCCCCCAGGGGGCAGACAAGTGTAG  
GGGGGGGGATGGGGGGGGCTTTTTTTTTTTTCCCCCGGGGAAAAGGGGGGGGGTGCCTCCGGTTTATT  
TTTGGGGAACCCACGTTTTTTCCCCCCCCGGTTTTTAAAAAAGGCGCGGGGGGGGGGGTTTTTAAACCC  
CTATTTGGGGGAAGGGGGGGGGGGGGCCCCCCCCCGGGGGGGGTTATTTAATTTTTTTGGGGGGGGGG  
GGGGGCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAACA  
AAATGAGATTATTATTTATAAACTTCTTACAAGACTCTAAAGAAGAAAATGGAATAAAGTTTACAAAATTCA  
ATAAGAAATTACATTTTCTAAAAAATAAATAAAATAAACTAAACCAGTATTTGATTATTTGTTACATAAGGGAG  
CAAGCATTTGGATTCTCATCGCTAAACATTTGAGGCGAAAGCAAAGTTGAGGCTGAGGCAAATGTTGTCCAA  
CAAATCCACCATTTCCATACCCGTATCCGTATCCGTACCCGTATCCATAACCCGGAACCGGAACCTGCCACGTAA  
TCAAGCCGGTTTCTTCCATTGCTCCGCCCTCTTGAGCTACCTCTCCTCCGGTCTTGTTCTTGTCACCGCCGTCTC  
CGCCCTTGCTCCGTCGTCTTTATCCTTCTTGGGTACCACCACTGCAACTTCCGCTTCAGTTTCTTCCAAATT  
CTCAATCAAAGCTTTCACATCCATTTCCCTTTCACCATTACTAAATCCTTTTGTCTCTCAATCGCCATGTCTCCA  
CTCCCTTTGTTCTGGATACAACCTTTGTAAATCTTCTCGATGCAACCCTGGCAGTGAAGTTCCACCTTCAACGTGC  
CCGTCGTCACCGGAATCTGGTCGGAAAATTTGAATCTTTGATGAGTTAAAATAATATTTTAAATAAAGTCCC  
AAGTTGACTTGCGGACAGCAATGAACTTAAATATTGACAGTTGTATCTCTTAACAT

>trans\_c\_1169 BT029455|Arabidopsis thaliana At4g32030 mRNA, complete cds

GGTTTTCTTTTCAGACCTTACCAATCTATCCAACCCCCCGCTCAGTATGGTATTGAAGGACGAGTGGTTTTGT  
GCCGCCATGGCCGATGACAGCGTCGTCGTTGAGTTACTCGTCCGTCTCAAGCAGTCTCAAGCCTCCTCCTCCAT  
TAAGTCTCCCGTTATCCCCCCCAGATGGGGTCTCAGGCAACGCCGTTCCAGGATTCTTCCCCCTTCCGATTCTGA  
TGCCGTTGCTCACAAGAATAAGGACTCTACCTCCACCAGATGCAGCCCCACCACCCCTCTCTCTTGGAGTGGCG  
ATACATCCCCCTCTGCTACCGCCGATGGATTCTGAAGAGTCCAGTCATCCATCCGAATTCTCCCTCTCCTCCAGAT  
CCAAGGGTTGCGGTATTAATGAATTCAGTTCTAGCACTGCCATGGCCAAGAGGTTAAAAAGAAGGAAGGCAT  
TGGCTGATCTGAGAGTGGAGGAGTCTTTACTTTTGAAGGAAAGGGTACATCTCAAAAAGGAGTTGGAAAAGCT  
TACATGCGACATTCAAGGAGCAGACGACTAACAAATGAGAAGTTGAAGAAAATGAAGCTCAATATGAATTTCA  
ATACATCATTGGATCACCTTCGGGACATGTCAAAGCCAGTAGCTTCAAATCAACAGTGCCAAAGGGCGGATCC  
TACAACTGAAAGTGTCTGCAACTTTGCCGATACAAACCGTACCTGGAAACAGTTTCACAATCAGAATCAAAC  
AACAGACGGGAGATAAATTCAATGAAAGTGGTGGTTTTCTTTCTACCAGATCTTAATATGATCCCAGCTGAGG  
ACTGTCTCTGAGTCTCTCATTGATCATGAGCTGAAGACGTGTTTCGACTCTTCAAGGACATTACTTCACGGTAA  
ACGACTTGTCCCGATGCCAAATGAAGAATAATTTACTGAGTAGATCGTTTTTCTCTAAGATGATTCTTGAGGTC  
ATAAAGGAGATTTGACAGAGTCAAGAGAATTTCAAACCTGGGGAGTTCTTCTGTTGCTGTTTCGAAATTCCTT  
GGAGTAGAATACCTTATTGAAATTCATTTCAATATTGTAGGATCAAACCTGTTTGATTCTTTGTAGGTAAAAAG  
AAAAGCTAATCAAACCTGTTCTATTCTGAAATGTTTTCTCTCTCGATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_1170 AY899280|Capsicum annuum Sgt1b mRNA, complete cds

AGAGTATTAATGTCCCCTCTAGTGGATCACAGAGACCTTCTACCCCTCCTCTAAGCCAAGAAGAGATTGGGA  
TAAGATTGAAGCTGAAGTGAAGAAGGAGGAGAAAGACGAAAACTAGATGGCGATGCGGCATTGAACAAGT  
TTTTCCGAGACATATACAAAGATGCTGATGAGGATACAAGAAGGGCCATGCAAAAATCATTGTGGAATCAAA  
CGGCACAGTCCGTGTCAACGAAGTGAAGGAAGTGGGATCAAAGAAGGTTGAAGGTAGCCCTCCAGATGGTA  
TGGAATTGAAGAAATGGTAGATCTGATCTGATCTAGAGCTTTTTCCCTGTGGTTGGATTGGTTTAAGTTTGAA  
AAGTTTTGATGGAAATATTTCCATTTTGGCGTCAGTTTGTAGGCAGCCGAGTCACCATCATTCTCCTTTGTTTC  
TGCTTGATTTTTCTACTATTTCTGTAAACCAGTTGTTTGCTTATTCTTCTGTTCTGAACTTTGTGATTATTATTT  
TAGAAATTGAATGGCTTTAGTTTAAAAAACTGTGACCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCGGGCCCCCAAAAAATTTAAAAAACCCCAACCCG  
GGGGGGGGGGCCGGGACCCCAATTCCCCAAAGGGGGGGGCAAAAAAGGGGCCCCGGGGGCGGCTTTTAA  
AAACCGGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGGTTCCCCAAATTAACCCCTGGGAAAAAACCCCTTTCCCCAGG  
GGGGGAAAAAAGAGCCCCCCCCAATCCCCCTCCCCAAATTGGCCCCCGAAAGGGGAAAGGGGA  
ACCCCCGGGAACGGCCAAAAAGGGGGGGGGGGGGGGGGGTAAACCCAAAGGGGGCCCCAAAATTTGGC  
GGGCCCCAAAGCCCCCCCCCTTTTTTTTTTTTTTCCCTTTTTTTTTGCCCCGGTTGCGGGGGTTCCCCAAAAGGT  
AAAAAAGGGGGGGGCCCTTTGGGGTCCAAAATTGTGGGTTTACCGCCCCCCCCCCCCAAAAAATTGTAAAAA  
GGGAGGGGTCCACAAAGGGGGC

>trans\_c\_1171 U46758|Oryza sativa potassium channel beta subunit protein (KOB1) mRNA,  
complete cds

ATAGAATCCACCGTCTTCACGTGTTGTTGTTTCATCAAAATCCTCTCCATTTTGATTTCTTTTCAAATCTCGTTT  
CACTCTCTTTCTCTCGATCGTCCTTCATTTCCGGCCACGATGCAGTACAAGAACTAGGGCAGGTCCGGCTTCG  
AAGGTCAGCCAGTTATCCTACGGTGCTTGGGTAAGCTTCGGCAATCAGCTCGACGTCCGAGAGGCCAAATCTC  
TTCTCCAATGCTGCCGTGACCACGGCGTCAATTTCTTCGACAACGCCGAAGTCTACGCCAATGGCCGAGCCGA  
GGAGATCATGGGTGAGGCCATTGCGGAGCTTGATGGAAGCGCTCCGATATAGTCGTTTCCACCAAGATCTTT

TGGGGAGGTCCTGGTCCCAATGACAAGGGGCTTTCTAGAAAGCATATTGTTGAAAGGTACCAAGGCTTCACT  
GAAGCGATTGGATATGGAGTATGTTGATGTTATTTATTGTCATCGACCGGATTCTCCACGCCGATCGAGGAG  
ACGGTTAGGGCGATGAACTATGTGATTGATAAGGGGTGGGCGTTTTATTGGGGAAGTAGTGAGTGGTCGGCT  
CAGCAGATCACTGAGGCTTGGGGGATTGCTGACAGATTGGATTTGGTAGGCCCGATTGTGGAGCAGCCGGA  
GTATAATTTGTTATCTCGGCATAAGGTTGAGTCCGAGTTTCTCCCTCTGTACAATAACTATGGCATAGGTCTAA  
CGACATGGAGTCCACTGGCTTCGGGCGTGCTCACTGGAAAATACAACAAGGGAAGTATACCACCTGATAGCC  
GATTTGCTTTGGAAAATTACAAAAATCTTGCAAATCGATCTCTGGTTGATGATGTGTTGAGAAAAGTCAATGG  
GTTGAAACCAATTGCAGATGAGCTAGGTGTCCCGTTGTCTCAGCTAGCAATTGCGTGGTGTGCTGCTAATCCT  
AATGTCTCATCAGTTATCACTGGCGCCACAAAAGAATCTCAGATTCAGGAGAACATGAAAGCTGTGGACGTGA  
TCCCATTGCTAACTCTGCAGTAATGGAGAAGATTGAGGCTGTTGTTCAAAGCAAGCCAAAGCGCCAGAGTC  
GTTTAGGTGAACATAACACATTCTTAGCACTTAGCACCATAGTCTTCTGAGCATTGCTTAACAACTTCCTCCA  
TATCTCTGTG

>trans\_c\_1172 NM\_001052278|Oryza sativa Japonica Group Os02g0125100 (Os02g0125100)  
mRNA, complete cds

ACCATGACAGAAAAGATATTGGCTAAAGCGTCGCAAAAAACGGATTGGAGCCCGGGAGATCACGTCTGGGG  
GGCCCTCCAACCTCTGAGGTTTGTGTCATGGATGGAGAAATGCCTGATTATTTACTTGCGAAAGACTTAATTTTGA  
AATAATTGGTGAAATATCACTATCTGGTGCAACATACAAAGCCATGGAATTTCTCGGCACAACAATTGAAAGT  
TTAAATATGGAAGAAAGAATGACATTGTGCAACATGGTTGTTGAAGCTGGAGGAAAGAATGGAGATATTCCT  
CCTGATAGTACTACATTCAAGTACCTTGAGGATAAGACAACCAAAACCCTTTGAACCAGTTTACAGTGATGAGA  
ACGCAAGATTTCTTTCAGAATACAGATTTGATGTGTCAAACTTGAGCCTGTGGTAGCTAAGCCCCATTCTCCT  
GATAACCGTGCTTTAGCAAGGGAATGTAAAGATGTGAAAATTGATAGAGTATATGTTGGATCTTGTACTGGG  
GGAAAGACGGAGGATTTTCTGGCTTTGGCTAAAGTTTTTGTGCTGCAGGAAAGAAGGTTAAAGTTCCTACAT  
TTATTGTCCCTGCCACGCAAAAGGTTTGGATGGATTTATATAGTATCCCAGTACCTGGAGCTGGTGGTAAACT  
TGCTCTCAGATATTTGAGGAAGCTGGGTGTGATACACCAGCAAGTCCTGGTTGTGCTGCTTGTGTTAGGTGGCC  
CTAGGGATACTTATGCACGGATGAATGAACCACAGTTTGTGTTTCAACAACGAACAGGAACCTCCCCGGTAG  
AATGGGACACAAGGAGGGACAGATTTACCTTGCTTCTCCATACACTGCTGCAGCCTCAGCTTTGACCGGATAT  
GTCACGGACCCAAGAGAGTTCTTGCAGTAGATCTAACCCAAATGGAGATTACAATAATATGTATGCCCCCTGT  
ATTATTTAAGTTGAAATAAGGCTTCGTATGTCTTTGTTTTGTATCTTCTTAGAGCATGATTAAGGAAATGG  
TCATATCTCGTTTCTAAGTTTCATGAGATTTTGGTCTATATTAGGATTTTGAAGAAATGGATTGTTTTAATTAAT  
TATTATCATTAACAAGTTATCTATAATTATAGATAAATGCTACGTTACGAACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_1173 AF483267|Populus tremula x Populus tremuloides glutaredoxin mRNA, complete  
cds

AGAAAACCTTTGTTGCAGCCGGGAAATCGTATTGTATCAATGGCAGCCACGGTGGTGACAATGAGGATGAGG  
ATGATACCCACGGTACGCGCCATGGCTTCATCTTACCTGAATCACTCTTCGTCAAGAAAACCATCGCTCCCA  
CCAGACTGTCATCTTCTCAAATCCTATTGCCCGTATTGTGAAACGGCAAAAGCCGTTTTCAAGGATTTGAACA  
AAGTTCCTCATGTTGTTGAGTTGGATCAGAGGGATGATGGGAGTGCCATTCAAGATGCTTTAAGTGCACTTGT  
CGGAAGGCACTCTGTACCTCAAGTTTTTATCGATGGAAAACACATAGGTGGATCAGATGATACTGTTGAAGCA  
TATGAGAGTGGAGAATTGAGTAACTCCTGGGTATTGAGGAATAGGATAAGGTGATTCATCTCTAAAATCGT  
ACCTTCAATTCTAAGCAGATATCTTTGCACATACAGATTGTATTTTGTGTTGAATCAACTGCTTATTAATTATATT  
CTTCAATGCGAGGATAAATTGACCACTATATGATATTATTTGTCCCGATGAAAAATTATTTAATGAAGTTGTT  
ATAGGTGTGGATTAATAATCTACATCTTTTATAGGGAATTATTGAGTACAAATTTAAAGTACTTTTTGCAGTTTT

TTCGCATATGATCTATTATCTATGTTGAAGTTCCCATAGTAATAGTAAGGATTTAGGTAAGATCAGAAATAGTC  
TATTTCTAACCGTTAAACAGATTGAAAAACAACTTCAAATAGTTATTTTCTTAAGGAAGAAAAGAAATTTTT  
ATTTTAGCTTAGTTTTTAAATGTGAAAAATCAAATTTATCTAACAATAAACTAATATTTAATAATTGATCTA  
AAAAAGATTGTTTTTGTATAACAAGTAGTTAATAAACATAAGCATATGGTTGGCATTTTTTTTTTCGAAATGA  
GCCTATCTCAATTGACGTTTGTGAAGAAAATAATTTTTTTTATTGTTAGTTCAGGCTAACCATTATTTTAAAA  
AAACTTATCAACTAGATAAATTCGTTAAAAAGAAAATTTGCAATAATACAACTTTTATTTAGGGACATTTTTAA  
ATACTAGTACTTAACATGCGATGTTTCGTAATTTTCAAACATTTTTCTATTTTATGATTCTGCACATTC

>trans\_c\_1174 U64925|Nicotiana tabacum geranylgeranylated protein NTGP4 mRNA, partial cds

CGGGGGCAGCATACAAAGGCAATTTGGCTTTTGCAGTTTCTTCTTCTTTAATATTGTGGTTAATTAATTTATA  
TAATCGATAAATCAAATTTAAATAAATAACTATGACGGATGTCCCTTCTTAACCTTGGTGTTAATGGGTGCAA  
CTGGAAATGGAAAAGTGCAACTGGTAATAGTATTCTTGGAAGAAAGAGTTCAAGTCCCAAAGAGTTCAT  
TGGGCATTACGAGAAGTTCTGAGTTACGGTCATGTACTCGGAATAATGGCCAAATAATAAATGTCATCGACAC  
TCCTGGAATGTTTGATTTATCGAGGGGAACAGATTACATCACGAGAGAAATAGTGAGATGTATCGATTTGGCC  
AGCAATACTGGTATTCATGCTGTTCTTCTGGTTTTCTCAACGAAGAATCGATTCTCTCAAGAAGAAGCAGCTAC  
TGTCAAAACCTTACAAAACCTTGTTTCGGATTCAAAATTATGGACTATGCCATTGTCATCTTCACAGGAGGTGACG  
AATTCGAATTCGACGACGACGACGACAATATTGCCACCTTCGAAGATTACCTACGTGACATTCTGTACCCTTA  
AAGGACATTTTAATTGCATGTAACAATCGCTGTCTACTTTTTGATAACAAAACCTAGGAGCGAAACAAAGAAGA  
ATGAACAAGTAAATAATCTTTAACTATGGTAAACGAAGTGATGGTCCAAAATGGAGGTATCCTTTACACA  
CACCTTGTTTCATAGCACCAAGCTTGAAGATAAATTCAATGAAGTAAAAACAAGCTTGAAAGTGTAATAGCA  
GAAGAAAGAGAAGCGAGACGCAAAGCGGAAGAGAACTGCAAGAAATGCAAAAGCGATTTGAGGATCAAA  
TCCGAGACCAAAATAAGTTACTAGTTGAAGTTCTTGAAGGCCAGTTGAAGTCAAAGTTGTCAAAGAATGCCC  
TATCTTTGAGTACTCTCAAAACACTATATATACCATATCACGTCGTGTACGCCTACATAAACTAATTAATA  
ATCACATTATAATATATGTTGCATAACAATGTGCATTTTAAATAATATAATAAACTCAAAATGCAGCTACCTT  
TTATTGTATACCCTTATTCGTGTTTTTCTAATGTAAAAAAGAAAAATAAATGTATGTAATGAATTGTATTAATCA  
TAT

>trans\_c\_1175 NM\_203039|Arabidopsis thaliana protein homodimerization (AT5G11950) mRNA,  
complete cds

TTTTAGAAGGATTTTTGAAGTGATTGACTCGGGAAATTGAAGGGTAGTTTTCTTTTATCTGTTTTAATTCTGA  
ATTCTCAGGTTTAATTTGATTAATTAATTACACTGTGATTATGATGATTGATTGTGATTGGCAAGAAAATGGAG  
ATGGGAATTAGAAGAAAAAGGTAATGGAGCCATGTGGGCTGCTCTTGCTTTGTTATATAAAGGCCCCCATTCG  
CATCTTCTGCCTTCCCAATTCTAATTCCTATTTTGTGAAGATCATACCCTCTTCTGTGTCTTTTTTCGGTAA  
TGGTCCTGAAATTCTTTTTGTTTTGTTCTCTTTTTTGGGAAGAGTTTCAGTTCTTCTCACCATTAAAAAGGG  
GTATTTATTATATATATACTCTGCAGAAGATACTGCTGCTTCTGCTTTTCTTTTTCCACATACCCTTTTGTTA  
GTTTTTGCTTTTCCCAATGTTTCTTTTGAATTATAATAAGGAACACTTGGGATTGTGAATGGAAGAGAGTAA  
TTCAAAGAGCAAGTTCAAGAGGGTTGTGCTTCTGCGGCAGCAACTCGGGTCATCGAAAAGTTTTACGCGAT  
GCTGCACTTGATTTGGGAAATGAATTGGTGGAGAGGAAGATTGATTTGGTGTACGGTGGAGGAAGTGTGG  
GTTGATGGGATTGATATCCCAAACGTATACGATGGAGGCTGCCATGTCCTTGGGGTCATTCCAAAAGCTCTG  
ATGCCTCATGAGATTTCTGGACAACTGTTGGGGAGGTAAGAACAGTTTTGGACATGCATGAGCGCAAAGCT  
GCCATGGCTCGAGAATCAGACGCTTTTATTGCTCTTCTGGAGGATATGGGACGATGGAAGAGCTGTTAGAA  
ATGATAACGTGGGCCCACTCGGTATCCACAAGAAACAGTTGGCCTGCTTAATGTTGATGGTTACTACAAC  
CTTTGTTGGCACTATTTGATAACGGCGTCATTGAAGGTTTCATTAAACCCGTTGCTCGAGAAATTGTGATATCT  
GCTCCAACAGCAAAGGAACTAATGGAAAAAATGGAGGAACATACTCTTCCGTGAACATGTTGCTCCTCACA



AAAGCTGGGAAATGGAACACCTTGGTGATTATCCGAGCCATGAACTAAACCATGACAGATAAATGTTAATG  
G

>trans\_c\_1176 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTAGATTTTATTTCAAATATTATTTAATTATTTTCCCTTATTTTTCCTCCTCCTGCTTTGGCA  
ATGGGTTTAGATATTTTCGGAATGTTATTATTGCATCCACGAAAAAGACGACGTCGTTTTCATCATTCTCTATTA  
ATATCTTTTTATTAATTTATTTAATTAATCTTTTTAGCCGTCGTGATTATTATTCATCATTTCTCTTTGCGTTCAAA  
AGCTGTCATCCAATGGCGTCTTCAAACCTACTTTTTCTCCCCTCCTTACATAGTTTTTATAGAATTATTT  
TCTATTTTGATAAACTATATTAGAACATATTGCAAAAACCATCCCTTAAATTTCAATTTTAATAGCCAAGTCA  
TCAAACCTATTTAAGTTTTAAAGTCGGATCAAATTGGACCTTCAAATACTTTGTAGGTTCAATTTTATGATAA  
TGGGTCCTAACTTCTAGAATTGTTGTAAACTCGAGGATTAAGTTTTAACATTTGTAATTGTTTAGGATTAATTTT  
TATAATTGGAAGATTAGTTTGTGTAATTACCATTTTTAAAAAATAGTCTTCAACTTTCCTATTTCTTTTAAAGTT  
GCTCAATATACTTTAAAAAAGTGGCAATATTACAAATTTTGGTTCACAACCACCCAGTTTAAATTTTGCATTC  
TTGTTTGAAATTTCAAAGGATTGTATTTTAAAGTAGTTTGAAGTATGGAAGTATATTGCAAGGTGTATATTT  
GTTAACAAATGAGAAAGTTGAGAATATTTGTTATAATATAGCATTTTTTAAATATTCATATTCTTTTAAAAAGG  
GCCCTTTAATGTGTTATTTGAAGATTCAATTTGTTGAGAAATTATTTACTCCAAGGTGCTTTATAAAAAGGAA  
GTGATACAGAAATTATTTACTCCAAGGTGCTTTATAAAAAGGAAGTGATAGTATTGATGCTTGCAATTAAG  
GTGAGAATTTAGTGGTATTTCTCTGATTTTGCCTTTTAAACTAGTCCTACCATTTCCAAAAAAATGAAGAA  
GGTTATATTTACTAAGAAACGATTTTTTAAAAAATACCAAATAAGATAATAACCAAAATGGTAGCCGGGT  
GTTTCTACAAATAAAAAATGATTTTGTAAACANTTAATCATACAATTT

>trans\_c\_1177 NM\_001052758|Oryza sativa Japonica Group Os02g0201000 (Os02g0201000)  
mRNA, complete cds

ACTGATTATCAAATGGATCTGTAAAAAGTTTCAATGCAAGTCACAATCACAATAATTTCTATCCAATACTGCCT  
TGTTTATCCGATTCTATCCGAAATTAGGGATTTTGATTGCGATTCCCATTTCCCTTTCGATTTGCGCATGTTTCTG  
TGTTTTCATGTTTGAATCTGATTTTTCGCCGAATATGGTGACCCGAGAGAGCTGGTTTTCTGTTTGATCGATC  
GACTTCTCTTGTGTTAGGGAGCATTAAACCTGCACCTGCCATCTCTGGAATAATCTGAAGTCTAGGATGCCA  
AGCATGTCAGAAGATTTTTGGAGTACAAGCACGTGTGATCTGGACGAGTTGCTTACACTTCAATCTCGACAGA  
ATTCATTTATCAGCACAACGAACCATAACTCTAACCATGGTGGTGTCATTGATAATTTAAGCAATCATTCTGACT  
TTGTAAATCATGGTTTTGTTCTTTGGACTCAGACCCGCCTTCGGTGGGTCGGAAATTGTGTGCCTGCTAAACGA  
ACTAAAAAAGTCATATTACAGGATTAAGTTGGTATATGACTAAAGAACTATTGTTGGAAACCAGAAAGCCTT  
ACCATCGACGCATACCTTTATCGGAAATGGTAGACTTTCTGGTAGAAGAATGGGAAGAAGAAGGGCTATATT  
ATTAAGCCGGTCAATTGAAAGAACAATCACCTTGTGCATACACTATCCTTGTGACTTTTTTCTTCGTGTTTTGG  
AGTTCAATTCCGCGCTACCACTTAACCTGGGATCAACTCGATACAAGTTAACATACAAATGACACCATTG  
GTTTGCTAACCTTTTCGATATTGCTGCTACATTGGAGATCTCTAAGGGGAGGGGCCAATTGTGAAGTAACCCA  
AAATCAAAGATCTTCCAATTGATCGGCGAGCTAAATGGTAAGCCCCCTCGACCAATATACTTTATACATACAT  
ATCAAACCTTTCTTCATCATTAGTTTAATATATGATGAAACATCAACTTTCAGTGTGTTTGATGCAATGTTGTTG  
ATGACCGACTCGTTGTAATTGATGTAAAAGAATAGATAATAATTAATCTCTCTAAACAAACTCTTCTTTGTTTT  
GAATTCCTGATAAAATATCAAGATTGATTTTGTGGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1178 AF428365|Arabidopsis thaliana AT5g64470/T12B11\_6 mRNA, complete cds

TGTTAGAATACTAAGCTAGGGGTGTTTGTGCGGTACAATGCACCATGTAAGATAAAAATTGCTTTTAACTCTTTA  
GTTGCCATTTTACAATCTCACAAGGTTTAATTCTTACCAGGTGGGGTTACGATAAATTTCCAAAAGAGAAACCT  
TTAGTTTTTTATCGTGCTGGTCAACCAATAGTTCCAGCTCTCGAGATGATGGATGGACTCAAACCTGTTCTTAA

ACATATGGTCTCTCACATACAAAAAGAAATTCCTGGCAAGACACTCAAGTTTTGGCGTCTACAATCCCCTAGAC  
ATTTTTATGGTGGTGAATGGAATCAAAATGGCAGCTGCTTATTCAATGAACCCCTTGAAGAATCTCAGGTGAG  
CAAACCTTTCCTTCAGTTAAGTTTGGCCCGTCTTTAACTTCCTCTCCACAAGGTGATTGAGTAATAATAACT  
GGACAGCTAGACATTTGGTTTGATCCAAGCAACAATGGGGTGAATAGAGAAGCGAGAACAATAAATCGTCTC  
ATCGACGAGGCAATACGTGACACAGATTTTGAGGTTCTTGATCTCACTCACTTGAGTGAGTTCAGAGCAGATG  
CTCATCCGGCCATTTGGTTGGGAAGACAAGATGCTGTTGCAGTTTGGGGACAGGACTGCATGCATTGGTGCTT  
ACCGGGGGTTCCAGATACGTGGGTTGACATTTTGCCAACTCATCAGTCATCACTTGAAGATGGAATAATCT  
CTAGAGTAAGAATATGTTCATTTTGAGTTCAAGAGGTTGCACATTTCCACGAAGATCCTCTAAAAACCTAC  
TCATTCGAATTGAAAGTCTGGTCTTGAAACATTAAGACCACAAAATACACATAAAGGGTATAGAGATCCATTT  
TGATGGAGAAATGTACTGCTGTCTGTAAGAAGATAGAATCTGATCATGATGATTTTCTACAAAAGTAGGATA  
AAAAGTTGAGTTTCTTTCTTCTCTGTTTCTCACTCGCACTAAATGATTCTTGCTAGATTACAGGCATCATTGG  
CAATGTAATTTCTTGATTGTTGCTAATCAATCTATAATCTAAAATCAAATATTATTATCCGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGACAAATCAAACCCTCAAAAAAATTAACAAAAACATAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1179 NM\_117193|Arabidopsis thaliana BTI2 (VIRB2-INTERACTING PROTEIN 2) (BTI2)  
mRNA, complete cds

ATCAACCTTAGTAGGTGTGGATTTCTCTGAGCGGAAACGGCAAGAACAAGGACTTTCGTTTTCTTTTTCTGAT  
TTTGGATCTGTTTTCTTTTTCTTCTCTTTTTCTTCTCTAGGATTTCTGTAAGTGGTTTTTTTTCTGG  
GATCTGTTCTGTTCAAGTTTTACTTAGCTGTTGTGGCTATGGCGGAGCATCACGACCACGAGCATGAACATG  
AGGAGCCTAAAGGTGAGTCGTTGCTTGACAAGATTACCGAGAAGATTCATGCTCATGATTCTCTTCTCTGAT  
TCCGATGATGATAAGGGCGATACTTCTGCTTCTATCAAATCTAAGATTTATCGCCTCTTGGTAGGGAAAGGCC  
CGTCCACAAGGTCTTCGGCGGAGGAAAACCCGCTGATATTTTCTGTGGAGAGACAAAAAGTTGTCCGGTGG  
AGTTCTAGGAGGAGCAACTATCGCATGGATTTTGTGTTGAGTTGCTTGAATATCACTTTCTGACGTTGATTTGCC  
ACATTTTTATGGCTGCTCTAGCAGTAGTGTTTTATGGTCCAATGCTTCTTCTTCAACAAAGTCTCTGCCGC  
ACATCCCTCAAGTTCACATTCCAGAGGACCCAGTGATAGAGATTGCCTCTGCTTTGAGAGTTGAGATCAATAG  
GGCATTGCTGTCTTGAGAGATATTGCATCAGGAAGGGATCTGAAGAGCTTTCTTTATGCAATTGCTGGTTTG  
TGGGTTCTATCCATTCTAGGAAGCTGGTTCAACTTCCTAACCTTGCTATATATTGGAGTTATTGTGCTCTTACC  
GTGCCCCTGTTCTACGAGAAATACGATGACAAGGTGGACGCCTTGCAGAGAAGGCAATGGCCGAGATCAAG  
AAACAGTATGTAGTATTTGATGCTAAGGTGCTTCTAAAATCCCAAGAGGACCACTGAAGGACAAAAAGATTG  
CTTGAGAGATGCCCCACTCTTGTTGGTAGTAGTCTGTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTGTTCTTTGATTTG  
GTGGTNAGGGTTTTTGTGATTGGCATTCTGAAGTTTCATCCATGAAAGAACCTGTCTTTTATACTTGTGTTCTC  
ATCAGTGGGGGTTGGCAATGTGGATTAATTTGTGGATTGCTGAAAAATACACATGATTTTGCTA

>trans\_c\_1180 EF645801|Carica papaya C-class floral identity (PLE) gene, complete cds

CTCTTAACCGATAACGTCCTTGTTGCTTCTGTTGTTGTCTCTTCTGCTATTCGGAATTCGTTGAACCTCATAAAT  
TGGTGTTCACATTGTCACAGACAAGAAACTTACACGCCAATGCACGCCTGATTTGCAACCAATTCAGTTGAT  
GATTCGGTTGTGGTGGAAATTAAGGGACTGCATCACTTCGAATGGTCCGAGGATGTCAATAGCAGAGTTAAA  
GATATGTTGGAGATTCATCGCTTGATCTGGAAGCGTTACTATGATGATTTCAAAGGAGCTAACTTGATTTGA  
TGGAGAAGATAAAAGAAAATTGGATGTTCTTAGTCCCAGCAGTCTCTCCCTCTTGAATCACCTCCGCATTTATG  
TTCCCGAGATCTCAATAAGATCGTGTTCCTGGACGATGACGTTGTGGTACAACATGATCTGTCTCTTTGTGGG  
ACATAAACCTTGGTGGGAATGTTTTGGTGCTGTCTTGATTCTTGGTGTGGAGATGGTTGTTGTTTCAGGAAG  
GAAATACAGCCACTACCTGAATTTCTCCTATCCTTTGATATCATCCAATTTGATCCCGATCGCTGCACGTGGCT  
TTATGGCGTGAACGTTTTCGATCTCGAAGCTTGAGAAAAACCAACATCACATCCACATATACCAATGGCTG  
AAACATAACCTCAATTCTGGATTGGCATTGTGGATTCCAGGGGAACTTGCTCCATCCTTGATGGCCTTTAAGGA

TCATATGTACCCATTGATCCATCATGGCACGTAGCTCGATTAGGTGAAAGACCCCCACAAATTTTCTCCAAGG  
AGATCCTCGAAGATGCTGCGGTCTGACATTTTCAGCGGCCAGCAAAGCCGTGGCTTGAGATCGGGTCGCCAG  
AGGTACGAAACATATCGAATAAACATGTAAATTTCTCAAATAAGTTTATTAAAAGATGTAGAATAATGGAGTG  
AGGAAAACAAGTTTTCTCACTTCTAGCACTAACTAAATTTATTTTGGGACCAGATACCAAATGAAGAAGAT  
ATTGTCTGAGACAAGAGGGAAGAAGGTTTTGCCTTCAGTCTCTGCTTAGACTAATCTCTACAAAAGAAAATAT  
GAAATATTGGTTAAATTATGTCCATACTATTACTAGGTAAAAGATGAAGGTAGCCATTAGCCNAATGCATATT

>trans\_c\_1181 EF571266|Phaseolus vulgaris cultivar USCR7 cap-binding protein-like protein mRNA,  
complete cds

GGGGCGGAATTTGGCCCTTTAGGGCGGGGGGTATTATTTTTGTTTATGCCATAGACGTTTCCCTCTCTTTGGTT  
AGGGCGTCGGTCTGCTTAATTTGCAATCTCAAAGAGTTGGTGACAAAAGCAATTTAGGGCATAACGAAATTTGA  
AGAAGACGAATCTGTCAATGGAGTTCGTAGGCGAGAAGAGGGATTTTGATTCTGCCAACGACAACAACAGC  
CTAACTCTGCTCAACCACTTCTTGATTCTTCTTTCAACCCTCACTCGCTGATGATACTAATGCCAAAGAAGCTG  
AAGAATTTAGTGAACGCATAGCTCGAGACCTTAAAGATGGCCTTCATCCTCTAAAGCACAAGTTGCATTTTGG  
TACACTCGTCGAACACCTGGAGTTCGGACTCAAACATCATATGAGGACAACATAAAAAAGATTGTCGACTTCA  
GCTCGGTCTGAAGGTTTTTGGGTAAGCTATTGCCATTTGGCTCGTCCTTCTTCATTGCCAAGCCCAACAGATCTG  
CATCTCTTTAAGGAAGGAATTCGTCCACTTTGGGAGGATTCCGCCAACTGCAATGGTGGAAAGTGGATAATAC  
GATTTAAGAAAGTTGTATCCGGGCGATTTTGGGAAGATTGGTTCTTGCATTAGTGGGCGATCAACTTGATTTT  
GGCGATAACATATGTGGTGCCGTGCTTAGCATTGCTTTCAACGAGGATATTTTGAGCGTCTGGAACCGTAATG  
CATCTGATCATCAGGCGGTGATGGGTCTGCGAGATTGATCAAAGGCACTTAAAGCTCCCATATGGGTATGT  
AATGGAATACAAACCTCACGATGCGTCTGCGTGATAACTCGTCATACAGAAACACTTGTTGCGAGGATGA  
GAAAAATGAGAATGTACCTCTAACTGAACGATGTTTACATGGTCTGCACTTCCCTAATTGCTTTTGAGACCCG  
TCTTTGGATGTTAAGCAATTGATTCCCTCTGATAATTTTTTTTCTTTAGGACATTGGAGCTTTTCTTAATTACAT  
GTTTGTCTAAGGTGAATAGGCTACTATGTAATGTAAATATTTGGACATTTGTAAGTGTAACTGCTCCTGACA  
CGTGGACCTTGGAAGAGACACTACACCTTTAGATCACTTTCTGTTACATGTTATACTTAACATTGNTCATT

>trans\_c\_1182 EU294211|Nicotiana tabacum pheophorbide A oxygenase 1 mRNA, complete cds

TGTTTTGCTTCATCGTTTTTTGTAATGGCTCTTCGATCTCTACATCTCTTTTTTCTTCTACTCTTATTACATCCTC  
GTTATATGATGTAAATCTCTCAGAATAGTTCCTTCTTTAATCGCTGTGGATCGGAACCCTAATTTTTGGTTGAG  
GAAATTGCGCAGTACGGCATCGTGTATCAGGCCTCTTCGAGTTGCTGCTCCTCAACGCCGCCATCGACGGTG  
GATTCTGAGAAATCTGAGGTGGTGGATTTCGGATGACGTGGAAGTGGATGAATCGGGGAATGAGAGTTCGTC  
TACGCCATTTTCTTGGAGGGATAATTGGTACCCTGTTTCCTTGATTGAAGACTTGGACCCTGCTTTGCCAACTCC  
GTTTCAGCTTTTGGGAAGAGATATTGTTCTTTGGTTTGATAAATCAAGTGGCGAGTGGGTTGCTTTTGATGATA  
GATGCCCTCATCGGCTTGCTCCTTTGTCTGTAAGCTTCCTGACTTGTTCTTCCACATCTATCATTGTGAGGCTGC  
TCTTTAATAAAAATGGAAAAAATTGAAAAATGTTATGCAAAACGTTTTCGTTGGGTTGCTCCTTGAAATTGGTT  
TTTGATCTAGGAAAGAAGTTAAACAAGTTAGGAGTTGATAATGTGACTGCATTCTGGCTATCTAGCTCCAATA  
AGGTTAAATAGTTGTGTAATGTTGGAATCCTCTAGTCTCTCTGGTGAACCTGAGCGAAGCTGTGGGTTTGATT  
AGTGAAAAGAACCATCCAAATGATGCTCTTGCAAATCCTTTTTGCCGTACATCTAAACTTGTCAATTCTAATTT  
ATGAAATTAGCTGAAAAAATGGCATCTATATGAGCCAAGAACCAAGAGATCTCAAAACCCCAACCCCAAGTA  
TACAAAAAAGAAAAAAGAAAAAGAAATTAGCTGAAAAAAGACAACCTTTAAAGTTAGTACCCAAACGACCC  
CAACCATGAATCCCAATCTAGTCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAATTTCTACTAGCTTGATTAGCTATA  
AATTTTAAATTGCAACTTGAAAGATACATCGAACAATTGAATTATATTTCTAAACCCTAACTCTAAACAAGCC  
ACCTCAAATTTCTAACTGTTACCACCTCTAGATTATAGCATTGTTACTCCTACTACTTATAGGCT

>trans\_c\_1183 AY108813|Zea mays PCO104391 mRNA sequence

AAGATATATCTTGAATTACCCCATTTTTCGCCAAGAAGAAGAGGCTTGTTTTCCGCAAAAATCCGCCATTCTTG  
AAGGTTCCCTTCTGCCTGAGCGAATTATCCAGAAGCTCGTGGAAGTTGGCAGGGAGCTGAGTTTTAAAAATCG  
CATCTTCGTAAACAGGCTCACTTCTAATTTTCCATGGCTCTCAATCCTAATCTATTTCCAAATGGGATGCCCCGT  
CCCTTCACCAACGAGCTTTTTCGTATTGGCTAGAGATGGCGTTGAATTTGAGATTGATAAGATCCCCGGGGCTA  
ATAGTGATCGTGTGAAAGCTAAAGGGACTATTTACTTATCAAATGTACGCATGGTCTTTGTCTCAAAATAAACCA  
GATCCAGTCTTTACTGCATTCGACATGCCTTTGCTCTATGTTCTGTATGAGAAGTTTAACCAGCCAATATTTTTC  
TGCAACAATATATCTGGATTAGTTGAACCTGTGGTGCCTGAAGACCAGCACAGAGCTCTCTACTCAACTCACTC  
ATTTAAGATTTTGTTCAGGAAGGGGGATGCGGTACTTTTGTGCCACTCTTCTTCAACCTGCTGTCTTCAGTGA  
GGCAATACAATCAACATATGAATGCAGGTCTCGAGTGGATCCATTGCAGGCAGCACAAACTCCTGTGATGA  
AATGATGAGACATGCATATGTTGATCCAAATGATCCAACCAAAATCTTCTTACAGCAGCCAACAACGGAGTCC  
CAGTTAAGGAGGCGAACATACCAATCCCAACCAGCTGAAAATGCAATGTGAAGGTAGTTGAAAAACAATTTTC  
ATACTATAGATTGCTTCCTTTGTTATTATCTACAAGAAGTGAGGGACTTGATGATGCAGCGAATGAAGACTTGT  
ACAGTTGAAAAACGTGTTGTTGAATCTGTAGTCAGGAGCGGTCAATTGTCTACTGAAGTTTCAACTTAACTCTT  
CCAATATGTTATTTTGCATGCTGATGCATGGCATAAAGTAGTATTTATCTTGTTAATGTAATCTATGTGTTATAT  
CAAAATAAAATAATAGAATTTTTTACGGTCTTCCGATTGTATGAGTTCTGACGGCTATATATATACATATATACA  
TATATTTTGCTTATGAAGTTTGGCGTTAATTTGTGGGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1184 AJ438264|Nicotiana tabacum mRNA for protein kinase CK2 alpha chain (ck2A2 gene)

AAAGTTGGAAGAGGAAAGTATAGTGAGGTTTTCGAAGGTATAAATATCACCAACAATGAAAAATGCATTATC  
AAGATTCTTAAGCCTGTCAAGAAGAAGAAGATAAAGAGGGAGATAAAGATATTACAAAATCTCTGTGGCGGC  
CCAAATATTGTGAAACTGCTAGATATAGTCAGAGATCAGCACTCAAAAACCTCTAGCTTAATATTTGAATATGT  
GAACAGTACAGATTTCAAAATTTGTACCCTACACTGACTGATTATGACATACGCTACTATATATACGAGCTTTT  
GAAGGCCTTGGATTACTGCCATTGCGAGGGTATAATGCATAGAGATGTAAAGCCTCACAATGTTATGATTGAC  
CATGAACTGCGAAAACCTCGTTTGATTGATTGGGGTCTTGCTGAGTTCTACCATCCAGGAAAAGAATACAATG  
TCCGAGTGGCATCTAGGTATTTCAAAGGGCCAGAACTTCTTGATAGTTTACAAGACTATGATTATCTTTGGAT  
ATGTGGAGCCTGGGTTGCATGTTTGCTGGCATGATTTCCGGAAGGAACCTTCTTCTATGGTCATGACAATCA  
TGACCAGCTTGTCAAAATTGCTAAGGTGTTGGGGACAGATGAGTTGAATGCATATCTGAATAAATATCAACTG  
GTTCTTGATCCACAACCTGAAGCTCTTGTTGGAAGGCATAGCCGCAAGCCATGGTCAAGATTTATCAATGCTG  
ACAATCAGCATCTTGTATCCCCTGAGGCCATTGATTTTTTAGATAAGCTTCTTCGATATGACCATCAAGATAGG  
CTCACTGCAAGAGAAGCCATGGCTCATCCATACTTCTCCAGGTGAGAACTGCGGAGAACAGCCGGCTACGA  
ACGCAATAACCCCATATGTGTAGGAAGTTAAAGTTAAGTAGCACTTTTGGTCATTGTGGCGTTAGTTTCTTAA  
GCCTAGGTTCTATTTTCCCACTCACCTAGGTGGGTAGGCTCATACAGATCATGGTTTGCCAATTCTTTGTTCTGC  
TGTAACATTGCAATTCTTATACTATACTATTACTACTCTTCTAACTCCACTGTATATTTTCCCCTCTTTTTAT  
GAAGTTTTTTACTATGAAAATTACTACTTTTGCTTGCTGCTACTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1185 AY579888|Lycopersicon esculentum AML1 mRNA, complete cds

ACTTATGATAAAGAACATTCCCTAACAAAGTACACCTCAAAGATGCTTTTGGCTGCAATTGATGAACGCCATCGA  
GGAACATACGACTTCATCTATCTGCCATGGACTTTAAGAACAAATGTAACTGGGATATGCGTTTATTAACAT  
GACTGATCCTGGCCTAATTATTCCATTCTATGAGGCATTTAATGGAAAAAATGGGAGAAATTCAATAGTGAG  
AAGGTGGCATCACTTGCATATGCTCGCATACAGGGAAAAGCTGCTCTCATTGCTCATTTCCAGAATTCAAGCTT  
AATGAATGAAGATAAGCGATGTGACCAATCCTTTTCAACACAGATGGCCCCAATGCAGGCGATCAGGTTCCG  
TTTCCGATGGGGGTAAATGTACGCACTAGGCCTGGCAAACTCGAACCAATACGCCGACGAAAATTCTGAT  
GAAGGTCTACTAATTTCCGGAAATGGTGAGAATTATCCAAGTGGAGACACATCTTCTTCATGTCTTGTAAGG  
ATTTGGACCAGCCCGTACCATAATTTTTGTGTTCACTAACCTTAGAGGACGAAGTAACATAAACTACATCCA

CCAAAGTTTGACTTAATTTTTTCATAGTGGCTGAAGGCAGGGCAATTCGCTGCAGTTCATGACATTAGAGAAGG  
AATGCTTAGCCAATGCTATGTCAAGTCTCCTTCCCCTCACCGTCAAAGGGAAGAAAAAGAACAAAAGAACCCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGAAAAAAAAACAAAGGAGCTCTGAAACAATAGTTCAAGGAGCATCTGTTG  
GAGCCTCCAAATTTTGATTTTGAGAGTGATAATATTATATATTATAAGAGATGGAAATTAAGGAGGAAAGA  
CTTCATGTATATGAGTATTTGATCCTTGAGATATTTTGTATGGTTTGACGTGAGCAGATGAGGCTTCCTCTG  
CTATACCCCCACTTTTTTTTTCTTTCTCTTTTGTATTTTTACTTTTGTGATTTTTCTGTTCCATTTTTATTTT  
GGGTTTGACTTGCAAATTAAGTGTAAACAGTTGAGAATGTGAGAGACAGACAGAGAGGAGCTCATGTGAA  
AAATTTTGAAATGAACTAATTATCAAAATTTCTTTGCTTTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1186 Z25862|S.tuberosum mRNA for T subunit of glycine decarboxylase multi-enzyme complex

CCGCTTTAGTTCTAAGCAGATCGGAGCCCGCAGTGAGCTTAGGCTCAAGTCCGGCGTCGTTTCGATGAAAGGC  
GGCGATGGTGGCTCACGATCGAGGATCTTCCCGAACTCAGAATAACTTAGACTGATCCACAAATGCTCCTTTA  
GGCTGTCTGATTTGTTTCTTTGAAGAACTAAATTTGAACGGCCTACAAGAAAACCATATCTATATTTTAGAGT  
AGCAAGATGAGGGGAGGTTTGTGGCAACTGGGCCAATCAATTACCCGCCGTCTTGCGCAGACTGATAAGAAG  
ACTGTGGGACGTGATTCTTTCTGCAGAGTCTGAGCTCAAAAAAAGTGTCTATATGATTTCCATGTTACTCAT  
GGTGGAAGATGGTTCATTTGCTGGATGGAGTATGCCTATCCAGTACAAGGATTCAATAATGGATTCCACTG  
TAAACTGCAGGCAGAATGGTGGACTCTTTGATGTCTCCCATATGTGTGGACTGAGCCTTAAGGGGAAGGATTC  
TATCCCTTCTCGAGAAGCTTGTTGTTGCTGATGTTGCTGGGCTTGCTCCTGGAAGTGAACACTTACTGTCTT  
TACCAATGAAAAGGTGGAGCCATTGATGACTCAGTAATCACCAAGGTGACGGATGACCACATATACTTGGTT  
GTGAATGCAGGCTGCAGAGACAAAGACTTAGCTCACATTGAGGAGCATATGAAAGCCTTCAAGGCCAAAGGG  
GGAGATGTCTCATGGCATATCCATGATGAGAGATCTTTCTAGCTCTGCAGGGCCCTTAGCTGCACCAGTTCT  
TCAATACTTGACCAAGATGATTTGAGCAACTTTACTTTGGTGAGTTCCGCATATTGGATATCAATGGAGCCC  
GTTGCTTTCTCACCAGGACAGGGTACACAGGTGAAGATGGATTTGAAATTTCAAGTGCCTTCAGAGAATGCACT  
AGATCTTGCCAAAGCAATCCTGGAGAAATCAGAAGGGAAGGTTGATTGACAGGACTTGGTGCTAGAGACAG  
TCTTCGACTTGAGGCTGGCCTGTGTTTACGGAAACGACATGGAACAACATATAACACCAGTTGAGGCGGG  
ATTAACATGGGCCATAGGAAAAGGAGGAGAGCAGAAGGTGGTTTCTTAACATTAGAGTGATTTCGTCCTCA  
ACTTAG

>trans\_c\_1187 XM\_002882991|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-conjugating enzyme 31 (UBC32), mRNA

GTGCCAATAAATTGCGACAGCCATCAATCTGTACGGCTTGGCTTTGATTATCGATTCAAATCCTCTCGTTTGGT  
TCCGGAGATTGCTTCTTTTTCGATCAAGTAATTTGTAGTCTTGTGATCGGTGGTGGGTTTAGTCGGATCGGAT  
CTGCGATTGAATTGAGAAGCTATGGCGGAGGATAAGTACAATATGAAGAACCCTGCGGTGAAGAGGATCCTT  
CAGGAGGTCAAGGAGATGCAGGCTAATCCTTCTGATGATTTGATGAGTCTTCTCTCGAGGAGAATATATTTG  
AATGGCAATTTGCCATCCGCGGACCTGATGATAGTGAATTTGAGGGTGGGATATATCATGGACGTATCCAATT  
GCCAGCAGAATATCCATTCAAGCCACCTTCATTCATGCTGTTGACCCCAACGGTCGATTTGAAACCCAAACGA  
AGATTTGTTTGAGCATATCAAATCACCATCCAGAGCATTGGCAACCATCATGGAGTGTGCGCACTGCCTTGGT  
GGCATTAAATTGCTTTCATGCCACAAACCCAAATGGAGCTCTTGGTTCCTGGATTACAAGAAGGAAGAAAGG  
CGAGTATTGGCCATCAAATCTCGAGAAGCACCTCCGAAATTTGGTACTCCTGAGCGTCAAAAACTAATTGACG  
AGATTCACGAATACATGCTGAGTAAGGCGCCGCTGTCCCTCAATCGGGTTCTTCAGATGTCTCTGACCAAAA  
ACCGACCAACGAGGAGTCTGATGTCCAGGTAACCTCTGAACCTGCTGAACTTGCAGCTGCTGGGGAAGAGCT  
GCAGAATCCACCTACAATCAACAGGATCGTTGAGGAAGCAGTACCAGAGGTCCAGCCGAAGTGGAAGAGT  
GGCGCCATCTAGTCGCCCCACCACTCAGGCTGAGCAGCAGAGGCCTGAGACGAGAGTTCATAAACCAGCTGA

>trans\_c\_1188 CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

>trans\_c\_1189 NM\_121783|Arabidopsis thaliana ATCBR (ARABIDOPSIS THALIANA NADH:CYTOCHROME B5 REDUCTASE 1); cytochrome-b5 reductase (ATCBR) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1190 NM\_120871|Arabidopsis thaliana myosin heavy chain-related (AT5G07890) mRNA, complete cds

GTCTTAGATTCACCGATAAATCAGACTGGATTTCGGAAGAAATTTTCAGCTTGGAGTCCGAATTGTTTCAGGT  
CCAATCTTCAAAAAGGCCCCGGATTCAGGAAGCCATAACTGAACCAATCATGGTCAAATACCAAAATCTTTTCC  
AAAAATAAAATATCTGATTGGCTGACGGTGGGATGGGAACCAATTATCGGAACCAAAATCAATTTTGATGTAT  
TTTTTGCTTCCAGGATTCGAATTCACCTTCTGTACGTTTTCTTGCGATGATATTCTCTGGTACTCACTCACCGGA  
GGATAAACTTCGCTTCCGCTAAGATGTTTCAGCTACTTGGCCTTGTCCCCTGTGCATTCAACGTTCTAGCGATTG  
AGAGAAGATGTCGACAGCTAAAGAAAGAGAAGGACATAGCAATAGATTCTCGGCCTAAAAGCTTTCCACTGA  
TAAGGGCTTACTCAGTTCATCTACATTTATAGACATTTCCATTATCATCCAGATGAACATCGTGACCTTTGACTT  
TGTCTGACGCAGCCATGTGAACTCCTTATCAGAAGCACACAAGGAAGACAAGCTACGCATTGAAAGCTTGGA  
GAAGGAGTTGACAAATTGCACCGAGGAAATAGCAGGAGTTAAGAGAAGAGAAGTTGAAAGCGAAAAAGAA  
GAAGCAGAGGACCTTGCTTAAGAAATGGCTGAGCTAAGGTACCAAACTACTGATTTGCTTGAAAAAGAGTCC  
AAGCGCGGGACTTGCATCGAACAGGGCGTCTTTACTGAGGAAACACACACATACTTTTAGGTGATGATGAGG  
AAATATGTTACGTTCCGTTCCATGAATGGAGTTATGGTATAAGATTTAGCTCATTGTTGCTGCAATGAGGAATA  
TGAAGTAGATTTGCTTTGCCACGGTTCTTTCTGATAGCTCTGATTCTGAATCTTTGATCAGTGTCTATTAGCAGT  
GTTGGTTTGTGATAATTTCTCACTGTTATAGATATATATGTATTTGTTTTGAATTCACCTCACTTCTTTGACACT  
CATTTCTGTTTTGCCAAATTAAGTGGCGGTGAGTCTGGTGACCTTTTTATTCGGTACATAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1191 AY461432|*Nicotiana tabacum* ANT-like protein mRNA, complete cds

GAAAAAAGTCGCTTCAAGTTGCCCGTAAGGGGAGAGTGGATGGTTAAATTTGGAGATGAATGAAGCGAAC  
GGATGGATGAGTTAAGTGCATTTGGCAGAAGGGCAATGGCCGTTGGAAGATTTTGATGTACCTTAACACTGC  
CTTCAATGTTTGTAAATCAATAAAACGTAAGTGAATTTCTTTCATTTGTAGGCTTAATCTCTTTATTTGTCTCC  
TTCAAACCAAATTTGAGTCACCATTACTTTTATGTTCTACAACGTTTTGTCAAATGTTCTTAACCCACATGAATTT  
TGGTTTCATTATCTAGCAGATTATGGGCTATTAGTATACTTTTAACTCTAAAGTTGAAATTTTGAACATTCATAAA  
GATTTCAATTCAGTTCACAACACAATGCATATTAATCAAAATGAAAATTCTTATTATCGGCATCCCATTAAATC  
AAATGAACAAAAGAGTGATCATCATCAGAAAGGAAATTTTGTCTCATCCACAGCTTGGCTTTGCTGTGTAGG  
AAGGTGTCCTAAGATTATTCCTCGTTTCATCATTTGATGAACAATTAACCACTGAAGAACCAATAACACAA  
CAAAATCAACAAACAGCAATGAATCAAAGTATCAAATCTCAATTAGGAAGAGTGACATAAATGGGAAAT  
AGAATGGTATACTCAGATGGCAATGGAGATTATTAGGTTGATTCTGCCAGCAGAGTCTCCTCAATGGATTTT  
AGAAGAGGGAGCTTTTTATCTCATTGTAACCCTCCAATTTCCCAAGAAAAACGCTCTTCACAAAAGAGTAGA  
AAAGAAAAACAGATTTGTTTGAAGAGAAAATGAAAAGAAAAAGAGAGAGACGGCTCAGTTTCGAAAGT  
AATCGACACGCAAGATTCGAAAAGAATCCTGCATTCCGGTCTGTTGAGCTTGATCTTTCATGAAATCACCAA  
GCCACTTGTTGTACATAAAACCAACGAAGGAAAATCCAAAGAAAAACGAACTAGGAAACCTCGCAGAACAA  
CGAAAAACAAAATGATTTGAAAAACAGTGAACATAGAATTTGTTAATGAAATTAAGTAACAGTAAAAATAA  
AGAACCTCATGAAAAGAAGGAAGAAAGGGAACCTAAACCAGCTTCTGCCGCCGCTGACACAGACAAGAAA  
GAGTT

>trans\_c\_1192 NM\_113143|*Arabidopsis thaliana* hydroxyproline-rich glycoprotein family protein  
(AT3G22440) mRNA, complete cds

GTGATCTTGTCAGAACTGTTAGACAAGGGGAAGCAACTTTTAGCTGTCAAATTTATCTTCGAGTTTGAGTTG  
ACTGAAAAATTTTCGCTGTTCCCATCTTAAAAGATTATGTGAAGGAGTCCAAGAAGGCAGCCAAAGCAGTAA  
GCAAGGAAGGAAAAAATCTCTCAGGGCACTGAATGAGGCTACCGCTAAAGAAGTGGGTGCATTAAATCTG  
TCATCAGATTGATTGAAGAATACAAGCTTGATTCTGATTATCCGCGAGTGAACCTTGAAAAGCGAATTGAGCA  
GCTGGAAAAACAACAGGCCAACAGGAAGCGTCTGCAGGAGCTTCTCTGTTATGGCCAGACAAAAACAGTC

GCAACAACATCAGCAAGCAAAACAAAAGTTTAAGAAACAGAAATTGCAGCTGAAGAAACAAATGTCACAACT  
GGTTCCAATTAATCGCCACGCATGGCTGCTCCAGTTGTCTCTGCAGCAGTTCCAAACATCGTCGGTGTGGAA  
ATCCAAATTATCCCCATATCAACAAACACGCCTACCTTCTGCAGGTTTGGTAGCTGAACCTGGTGCCTCTTATC  
AACAATCTCTTCTACAGCCAGCAGGTTTGTACCAAATTATCCTGTTTCATATGCACAATCTCATCTACAGCCAG  
CAGGTTTACTGCCGGAACACCCTGCTCCATTTGAGAGCTCATCGGCTATGGCCTATGGTATAGCAGTGGCAGG  
CTCCACTCCAGCTGTTGCCTCTTATCATGGCTCATCAGCTGAGTATTATGGTTTGGCTGGAGGCCCATGGGTT  
TTCCTGGAAATGCAACCACTGCTAATTCTCACACATACCAATCAGAGCCATATGCACCACCTGGGTATGGTGTG  
GGTTTGCCACCCATTTCCATCCATCTTACTACCCCCAGTAGTTTTGGAATTGTCTATCATCGCATACTTTTTGGA  
TCAGCTGCTTGCTATGGTGGGATATGACATGAAATGGCATCGACCATCTCCCATCTCTTGTAGTATCCATGAA  
TATGGTTTTGTTTCTTTAGTACAGTTGGGATTAACCTTTTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1193 BT024909|Arabidopsis thaliana At3g02920 mRNA, complete cds

GGAGGGATGGTGAAGCGGTGGGATATCTAGGTTTTACCGAAGCAAAATTTCAATTTCTCAAACGCTCTTCAAA  
CTGCTCTCGATCACTCACTTCGATTCTTGTAGGGTTTCATTATTCTTCACTCCTACCTTTACAGGGGAAGAAC  
GATGTATGCAAGTCAATTCGACGGCAACGCTGCCTTCTCCGGTGGTGGATTTATGCCATCTCAGACCACCCAG  
GCCCTGATCACTCATTCTCTCCGGCCAAAAATCGGGATGTCCAGGCATTGCTTCCATTAACAGTGAAACAGAT  
AAACGACGCATTTCTGTCCAGTGACGATAAATCAAATTTTGTTATTGATGGTGTGATGTTAACAATGTTAAGC  
TTGTAGGGATGGTGCCTAATAGAGCAGGAAAAATTACTGATGTGACTTTTGCACTGGACGATGGCACTGGAC  
GGATTGACTGTAGCAAATGGGTCAATGAAGCTGCGGATTCAAATGAAGTTGAGGGAATATTGGATGGCATGT  
ATGTCCGGGTCCATGGCCACTTAAAGAGCTTCCAGGGTAAAGAACTTTAAATGTCTTTTCTATCAGGCCGGT  
GACGGACTATAATGAGATCACAAATCACTTCATCGAATCCATATATGTTCATTTTACAACACCAGATTGCGGA  
AACAACAAAGTAGTAGTATGACTACTCAGCCACAGATGACAAATCTATCTAATACGCCCGTGAAAGGATATCA  
AGCTCCCATTCGAAATCAATACACTGGTCAAGCAGGCGGTGATAGTTGGAAGAGCCTTGAGCAGATGGTCTT  
AGATTTTCTGCAACTTCCTTCATGCGATTCTGAAAGAGGCGCACACCGTGATGTCATTGCTCAACAGCTCAAAG  
TTCCACTAGAGAAGCTCATTCCGGCGATGAAAAATCTAGAAGAGGAAGGCCTAATCTACTCAACAACCGATGA  
TTACCACTTCAAATCAACCGCCAACGGTTGACGTTTCTATTATGGTAACTAACGAATTGAAGTGAAGTTTTTTC  
AGTGCCGTGTTTCGTTCTATCTATAGTTTAAAGTTGGGTAAATCACTGTGGTCAAATATGATGCTGAAACGTC  
TGTTTTAGCCTCTATAACAGCGATCCAAATCCCACATGGCTATGCCTTGTTTATAGTTGATGCTATTATTGT

>trans\_c\_1194 NM\_179714|Arabidopsis thaliana TET8 (TETRASPANIN8) (TET8) mRNA, complete cds

CATTCTCCTTTCTTCACTCATTTTCCGTTTCTGGGTTCTCCTCTGTTTTCTTATTCCAATATCATGGTGAAACTC  
AGCAATAATCTCGTCGGGATTCTCAATTTCAATACCTTTTTGCTCTCTATCCCCATCATCGCTGGTGGGATATGG  
CTCAGCCGACAAGGTACATCCGATTGTGAGAAATTTCTCGACACCCCCGTAATCGTCATCGGTGTTTTTCTTCT  
ACTTGTCTCACTCGCGGGTTTCATCGGCGCGTGTGTCGCGTGAGATGGCTTCTCTGGATCTACCTTTTCGTTAT  
GTTCTTCTCATCCTTCTTCTCTTCTGCTTTCACCATCTTTCGCTTCGCCGTACCAACAAAGGCGCCGAAAAGT  
TCTTTCGAACAGAGGATATAAAGAGTACAGACTCGGTGATTACTCCAAGTGGCTACAGAATCGCGTCAGGAAC  
AACAAAGATTGGAACAGAATCAGAAGCTGTTTAGTCGACAATGAGGTCTGTGCCGAATCAACCAGACATTC  
GCTTCTGAAACCGTTGAGCAATTCTACCAAGAACACTTATCTTCAATTCAGTCTGGGTGTTGCAAACCGGCAGA  
TGAGTGTAATTTACGTACAAGACACCGACTCAGTGGGATAAACCGGCAAATGTTTCAAGTTTTTCGAATCCG  
GACTGTGGTTTGTGGGATAATAGACCTGAAAAGCTGTGCTTCGATTGTGAATCCTGCAAAGGTGGAGTCTTG  
GATAATCTGAAAAGGAACTGGAAGAAAGTGCGGATTATTAATATTGTTATACTTGTGTTTCTCATCATTGTTTA  
CTCCATTGGATGCTGCGCTTTCAGGAACAGCAAAGAGGAGAATCATTATCCTAGATGGAAATGAAGTTATTGA  
GTATTGATTTTTATTTTATGTTCTTTCATTGATGCTCTGTTTTTTTTTTTCTCTTTTTTTGTTGTTCTAGTTTCCTC



AGCTACTTAGGTTTGTATTGTTGACTATTATTTGCTGTGATATATATGAATAAAATTTAGGGAGCTTGTA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1195 XM\_002329997|Populus trichocarpa ferroportin protein family, mRNA

AGTTGGGTTAATATTTTCAGGCTGCACTTTTGACAGTTGCTGTTGCTGTGTACTTGAGCGGGTCTCTTTCCCGGC  
AGAGTCCTCTTCTTTCTTCTTAGCTATGATCGTTTTATCTAGGCTCGGACACATGTCATATAATGTTGTAGGGC  
AACAGATTCTTCAAACCTGGTATACCATCATCCAAAACGAACCTCATTGCATCAACAGAGGTCTCAGTAGCTAGT  
TTAGCAGAGTCTATAATGTTGGGAGTTGCAATAATTGCCAACGATACTTCACATTTCCGATTCTAGCGATGCT  
GTCACTTCTATCTGTTGTTGGAGCAGCAGCGATTTTCTGCCAATGGTTGTTGAATCCAACCTGATGAACAAAGGA  
AACTTTTTCTTTTCAGCTCTCAGTTTGAGATGTCCTGATGCTAAAGCTGTGTTTGACATAAGCTGGAGCTTTTGG  
ATTCTTGATACGTAGCACACAAATTAATACGTAAATTGGGAGGTCAAGCCCATACCATTTCTCTTTAATGTGC  
TTATATTTACTTTGTGGGTAAATGAATACACAGTGAAATGAAACAAACCTCCCACGACATATTTCAAAGCTAG  
ACTAGACTCAATATCAATTCTGACGTTGTACATACCTTTCTGTTTCATCTTGTAAGCAATCAGTTCATTTAGCTT  
GAATACTTTTTCTTCTATGGTGTGAAGAATCTTTTAGTGAAGCTCCATTTTAACAAAAAAGGGAAAGGAAA  
GAATAAGAAAAGGTCCAGGGGGGGGTACCTTTGAATCATGCTGCTTTTTCTTCCAGCTTGAACATAGCAAGA  
CTAAAGGACTGTTTCACTGTTTCATGTTCTTCATTTAATTCTTGCATAGTAGTAAATCATCATGAATCCATTATCT  
GGAAGGATCGAGATTTTACCTCACTTCCTCTTGAAAATTATTGAGATATTTGAGTTTTGAAAAGAAGTCTGAG  
TAAGATTCTGAAGTTTTTCAGTTTCTTTTAGTTAAAACAGCAAAGAACAGAGAGAGTACCTTTTGTGTTGGTG  
TAATTCCAATTCCATGGTTCCATCAGCTGATAAAAAAATGTGCACAATAGTGACTGTTGCTTGATGGTAACCA  
TCAATGGCTTTAATTGTACCTCATGTTATTTATACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1196 FJ917371|Citrus maxima cultivar Shatian S-like RNase mRNA, complete cds

ATTGTATAAATAAATTTAGCATTTTTGGTCTCCATAGAGTTGTCGTTGTGTTGGGGGGTGGAGCAATTTACGG  
ATCACCATGCTCTCTCTCCGCCATTCCCATCATATTTCTTCTCAATTCACCATATTTCTTGCATCAAATACCTT  
GAATCATGCTTCAGGTGCCGTAATTTCCAGACCAAGGACGGTCGAGAGCAGAGAGAATTCGATTACTTCAA  
TTGGCGCTACAATGGCCTGGTACTATCTGCAAGAGCACTCGCCATTGTTGTTCTCCAACGCATGTTGCAATCG  
ATCTGGTGCTTTTGTGACTTTACTATTCATGGGTTATGGCCTGATTACAATGATGGAACATGGCCTGCATGTT  
GCAATGGAAAAATTTTGTGAGAAGGAGATTCTGACTTTACTTGATCCCCTGAAGAAATATTGGCCATCTTTG  
AGTTGTAGTTCACCTTCGACTTGCCATGGTTTGAAGGGATCATTTTGGGCTCATGAGTGGGAGAAGCATGGAA  
CCTGTTTCATATCCAGTAGCTCGTGATGAATACAATTACTTTTTAACTACTCTCAACGTCTATTTCAAATATAATGT  
CACAAAAGTTCTGAATGATGCTGGATATGTACCTTCAAATACTGAGAAATATCCTCTTGGAGGAATCATTTAG  
CAATTCAGAATGCTTTTCGTGCCACCCCTTCATTAGAATGTAGAAAGGGTGCAGTGAAGGAACCTTCATTTATGT  
TTCTACAAGGACTTCAAGCCTCGTGACTGTGCTGAGACTCACTCACAGAATGTGATTGTCTCTTAGATCTTC  
ATGTCCCAAATATGTGAGCTTGCCAGCATATGAGCCTGAAGCCAGGATTTTCGACTTCGCTGATTCAAGCGGG  
CAATATCTAAGTGCTTAATTAAGTCGAGAAAAAAGTGCTTAATTAATCTCTCTTGAACATAACACATACTGT  
TAATGTTATTTCTCTGCTGGGATATGTATAAATCAGTAATGTGTTATATTTCTAATATTTTACCTTTTGAAGGC  
TCTAAAATTGTACAAACCATGCGAAATTTACAGACTGAAATTTTAATTTAATTCAATCGAACACGTATTGTTAG  
TAATGCATTTTGTACGATCAATTAGTGTAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1197 Z46646|C.plantagineum tkt3 gene for transketolase

ATGCTACAAGAAATCTTTCCCAACAAAACCTTAATGCCCTTGCAAAGGTTCTCCTGGTTTCCTTGGTGGAAGT  
GCGGACCTTGCTTCATCAACATGACCCTGCTTAAATCATTTGGAACTTCCAAAAGGATACTCCTGAAGAGC  
GTAATCTCCGATTTGGTGTTAGAGAGCACGGGATGGGAGCCATCTGCAATGGAATTGCCCTTCACAGTCCTGG

ACTCATTCTTATTGTGCTACGTTCTTTGTTTTACCGACTACATGAGAGCTGCCATTAGGATATCTGCCTTAAG  
TCAAGCTGGTGTAACTATGTCATGACTCACGATTCAATCGGTCTTGGTGAAGATGGGCCGACCCATCAGCCA  
ATTGAACATCTGGCAAGCTTTAGGGCTATGCCAAACATATTGATGCTCCGACCAGCTGATGGTAATGAGACCG  
CAGGGGCATATAAAGTTGCAGTACTTAACCGAAAGAGACCTTCCATTCTTGCCCTTTCTCGACAAAAGTTGCCA  
AATCTTCTGGAACCTTCATTGAGGGAGTTGAAAAGGGTGGATACATTCTCTCAGACAATTCCTCAGGCAACA  
AGCCTGATGTTATCTTGATTGGAACCGTTCTGAACTTGAAATTGCTGCCAAAGCTGCAGAAGAACTAAGAAA  
GGAAGGAAAGGCCGTTCTGACTTGTTTCTTCTCGTCTCTGAGGCTCTTCAACGAGCAATCAGATGCATATAAG  
GAAAGTGTCTGCCGGCTGCTGTTTCTGCCAGAGTGAGTATTGAGGCTGGAACAACATTTGGGTGGGAGAAG  
ATTGTTGGAAGCAAAGGAAAAAGCAATCGGCATTGACCGCTTCGGAGCAAGTGCTCCAGCAGGGAAAAATTAC  
AAAGAGTTCGGTATAACCGTGGAAGCTGTTATTGCCGCTGCCAAACAAGTTATTTAGAACAGGTTAGTTGTAA  
TTCGCGGAAACGTATCCAACAACATAAATTTGTTTGAATTTGGGCGGGAATTTCTGTAGAGACCACTTCCAAG  
AGGTTCCGTTCTAATGACATGATCTTATGTTGCAATAAAAAGGTCTGAGTATTCTGTCCATTGTGTGTCTAT  
GTCTATGTTTTTCTGTGAAGAGGCATTGTTTGACGACGATAGAACTAGGATTCTCTGTTTCTTAAGAAACAA  
A

>trans\_c\_1198 NM\_001036422|Arabidopsis thaliana kinase (AT2G37050) mRNA, complete cds

TCACTCTTCTTTCAAGGATTCATCACAGAAATCTTGACAATTACTGGGATATTGCCAAGAACAAGACAGAAGT  
ATGCTTATCTATGAGTTCATGCATAATGGAACCTCTCAAAGAACATCTTTATGGTAAGCCCCATGTCATTTTTGCA  
GTGAACAATGCAGGTTCTGAAACCAACTGACTTCTCGTCTGTGTACAGGTCCACTAACACGGGAAAAAACTAT  
CAGTTGGATAAAGCGCCTCGAGATTGCTGAAGATGCTGCTAGAGGGATCGAGTACCTTCATACAGGCTGTATT  
CCAGCAATTATTCATAGGGACTTGAAAAGCAGTAATATTCTTCTTGACAGGCACATGAAAGCCAAGGTTTCAG  
ATTTTGGTCTTTTGAAGCTTGCAGTGGATGGGGTCTCCCATGTGTCCAGCATCGTTCGGGGAACTGTTGGATA  
TTTGATCCAGAGTATTACATCTCCCAGCAGTTGACAGACAAGAGTGATGTATATAGCTTTGGCGTTATTCTTC  
TCGAGTTGATATCTGGTCAAGAAGCTATATCTAATGTAACTTTGGTGCTAATTGTCGCAACATTGTCCAATGG  
GCAAAATTACACATTGAGAGCGGTGACATTCAAGGGATCATCGATCCATCGCTCCGCAATGAATATGACATTC  
AATCGATGTGGAAAATAGCAGAGAAAGCACTAATGTGTGTACAGCCACATGGGCACCTGAGGCCATCCATAT  
CTGAAGTGCTGAAGGAGATACAGGATTCAATTCTAATTGAAAGGGAAGCAAATGCGACTAGAGAAGGTAAC  
CTGATGACATGTCTAGAACTCAGTCCATTCTTTGAATATGGGTTCTCTCGATTTGTGTGGGAACGAAAACTAC  
GTGTCGTTTGACGAATCCATTGCTCGGCCTACCGCAAGGTAGGAGGGGGGTAGTTAGTAAGTTATATTGTACA  
AACACCATTTTTTAGGAACATAAAGTTTGCATTCTTTACGCTTGCAAGTTTGTCAATGTGTCCCA  
TATTTTGCATCTCTTATTACACATCTCTTTAAAAGAGATGAAATGGATAGCTAGTTGTAAATTATTATTTAACAG  
ATTTTGTAGAGTTGTCATTGGGTGTTCTCCATTTGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1199 NM\_125485|Arabidopsis thaliana COB (COBRA) (COB) mRNA, complete cds

AGCAAAGATTGTGAGGCCAACCAAAATTTGTTTCAGGAGATAAAAGAAGAGTAACTCAAGCTTTGATGACTTG  
GAACGTTACATGCACCTATTCTCAATTCCTGGCTCAGAAGACACCCACCTGTTGTGTTTCCCTCTCTTCTTCTA  
CAATGATACTATAGTCAACTGCCCAACCTGCACTTGTTGGATGTCAAATAACACGGCGGGTCTGGGAGCTGT  
GTGGATCCAGATCCTCCCTATTTGGCTTCAGTTGTATCAGCTCCTGATAAATCAGGTAACAGTGCACCCTTGGT  
TCAGTGTAACAGCCACATGTGCCATAAGCAGTCCATTGGCACGTGAAGCTGAATTACAAGGATTACTGGAGA  
GTGAAGATCACGATACCAATTTCAATTACCGAATGAACTACACTCTCTGGAATCTGGTGGTGAACATCCCAA  
TTTTGATAATATCACTAACTATTAGCTTTAACTACAAGTCGTTGAGCCCATATGGTGACCTAAATGATACCG  
CGATGTTATGGGGAGTTAAGTTCTACAACGATCTGCTCAATCAAGCTGGTCCTCTTGGTAATGTGCAGTCTGA  
GCTTCTATTCCAAAAGACCAGAACACTTTCACTTTTCGACAAGGGTTGGGCTTTCCCAAGAAGAGTTTATTTC  
ATGGTGATAACTGTGTGATGCCACCTCCAGAGGCCTATCCTTATTTGCCAATGCCAGTTCAGACCAGCTATA

TCTCTACTTGTGACCATCTTAATATCTTTGGCATTACTGTTGAATTTTGCACAATAAGTCACGCCTACGGGGACA  
ACAAACACTATTAGTTGCTCTACCACTCTAGATTTCCCACGAGCTTTTGGCAATCTGGCCAATGGTGTGCAATTT  
ACTGATGCTTAAATCAAAGGCAATATGAGCTTGTTCTATTTGTGGATGGGTATTAACTCAACCTCATTCTTG  
TGATGTTTTGGAGCGAATTGTGTTGTACAAATAGTTACATTATACGTTCAATCATTTTATTTGTATAATGATTAA  
AAAGTATTTGTCGCTCTCAGTGTAATAACTTATGAAACAGTTCAATTTTCCCATAGAATGCCTGTTTTCTTCATA  
GTTCTTTGTTATTAAAGTTGATACATGATGGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1200 NM\_001070548|Oryza sativa Japonica Group Os10g0101000 (Os10g0101000)  
mRNA, complete cds

TCAAAGAATGTTAGTCTACGAGTACATCCCCAATGGATCTCTCGACAAATTCCTCTTCGTCAAATCTTCGTCTCTC  
TGATTCAATAGAGATAGATGGAGAGAACCCATTGCTAGATTGGGGAATCCGTTACAGAATCGCCATTGGAGT  
TGCAAGAGCAATCGCGTACTTGTCATGAGGAATGCCTGGAATGGGTATTGCATCGAGACATAAAGCCCCGAAAA  
TATCCTTCTAGACAACGATTTCTGCCCCGAAATTATCGGATTTTGGGTGTGCGAACTAAAAGAAAACGACGGA  
ACAGCAGTGAGTATATCTCGGATCAGAGGCACGCCCGGTTATGTGGCACCGGAGCTAGTGAAATTGGGTTCA  
AATTCAATGACGACGAAAGCAGATGTGTATAGTTTCGGAATGGTGCTACTGGAGATCATCAGCGGGACCAGG  
AATTCGATACAAAAGAAGGATCGACAGTTGAGAGCGCGTTTTGGTACTTTCCAAGCTGGGCATTTCGAAAAA  
GCCTTTGTGGAAGAGAAGATTGAAGAAGTTTATAGACAGTCGGATCAGGAATCAGTATGACAGCGGAGCCCAT  
TTTGCGATTATTAACCGTATGGTGCAAACGGCAATGTGGTGCTTCAGAGCCAGCCGGAGATGAGACCGTCG  
ATGGGGAAAGTGGTGAAGATGTTGGAAGGGAAGTTGGAGATTCCTAACCCGAAAAAGCCCTCCATTACTTT  
CTATCGGAAGGACAGGAAGGTCCTAAACATCCAATAGCCATGGTGGTCGATTCTGTAGATTCTATGGACTCTG  
ACTTTCCTCCAGCTGAATACAGCTCAACTAGTCAAAGTTTGGGTAACTTTTCTTAATCTTTTTAACTTCAATTG  
TATGAATACGAACTTTTAAGAATATATATATTCTTTTTTATTAGAATGATTTTTAAAATGTTTAGAATCCATAAT  
GAAGTAAATTGTTTCTAATGCTATAGAAAGTTAGTATCTTTTTTTATCAACTTATTGTATAGTATGTATATGGA  
AATATTTGTAGTCTCATTTTAAACTTTAAATCAAATTTGAGACGTTAAACACCGATGTTTTAAGTTTGAAATG  
TATATTTTTGACAAAGTTCATTCTTTAAAGTTCACAAAATTAGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1201 NM\_103082|Arabidopsis thaliana disease resistance protein-related / LRR protein-  
related (AT1G33590) mRNA, complete cds

TATCTAGAGTTAGGGCACAATTTGATAACAGGAAATATTCTGATTTTCTTGGAACCTTTAGGGCTCTGGATAC  
ACTCGATCTCTCATCAATTACATCTCTGGAGTTGTGCCGAAAAGCTTCAGAAATTTGACGAAAATATTCAACC  
TGGATCTGTCTCGGAATTCGCTGGTGGATCCATTTCCGGAGTTGTTCTGTAAGGGGATCGAGTCGTTGGATTT  
ATCTTACAACAAATTTATCTGGGGAAAATTCGGAATGGGTGACGTCGTCGCCGATTATATACTCTCTGAAAT  
TGCGGAAATGTGGGATAAAAAATGAAGCTGGACGATTGGAAGCCGACTGAAACGTAATTTCTACGATTACATAG  
ATTTATCGGAGAACGAGATCTGGGGGAGTCCGGTGGGATTGTTGAACCGGACGGATTACTTGGTCGGATTTT  
GGGGAGCCGGAACAAGTTGAATTTAAGTTGCAAGATTTGAGGATAGTGAAGAGCTTGAAGTACTTGGATT  
TGTCGAGGAATGTGGTGTGGGTAAAGTACCCGGCGGGGTGGTGGGGCTGAAGAAATTGAATGTGAGCTAC  
AATCATCTGTGTGGCCGGCTTCCGGCGACGAAGTTTCCGGCGACGTCGTTTGTGGGAAATGATTGCTTGTGTG  
GGCCGCCGCTGCCGGCCTGCAATGATGCGTCCTCCTCGACGACGACTACTACTGTGGAATTTAAAACCGAGA  
CGTAGTTTTCAAATTCATATCAACATTGGGTGAGTTACCAACCGCACCACCGAATGCGAATGCGAATGCGTT  
AAAAGGCGCATTTTAGATGAGATTATGTGGGGGCACGTACGTATGAGCGTTATATGAAACCTAGTAGCTCTCC  
ATATCATCTTTTTTATATGAAACCTAGTAGCTCTCATACCATCTTTTATATGAAACTAAGTTTGATACTGGTTAG  
GATGGGACCTCAACCAAACAGGTTTATGCTTTGATAATTAATATGTACATCGCACGTGTTTTCTGAAATCCAAT  
AGCACGTAACCTAACTAGCTAGTTTAATCAAATGCTTCACAGTTCCAAAGTTAGTTTTTATCGGATGTTA  
TTTAAGCCTTGGTATTAAGTTGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1202 AJ508392|Medicago truncatula mRNA for RNA-binding protein (rbp1 gene)

AAAAACAATAGATTCTCTAAATTAATCGGCAGTTAGGGTTTTAGGAATCTCCAATTTGTGCGTTAAGGTCAAT  
TCATTTGTCTCCGCTTTCCAAGATCCTGATTCCCTCTGTTTTCTCAAGCACTAATTTTGGAAAATTGCAGCATAT  
ATGGCGGATGATTATTGGAATCGGCAGCAGCCTTTGCTTCCTTCGCCAGCCATGCTTAAACGACCTCGTACTGA  
TTATGAACTTCCTGCCTCTGGATTGTCTACCGGCCATGATATGCACAATTATTTAGCAAGTGATGATCGTGGTG  
GTCCTCGGTCAGTAAAAGATACACAAACAATTGGTTCGGCATATGATCGTTATCTCCAGAGTGTGCAACTTTCT  
TCTTTTACTTCCGGAGAAGTACCTACCCATGGAGAAATGGGCATGGGAAGGCCTGTTGCGAACAGAATGCCA  
GTTGGGAATAGAATGCCTGGGCTTTATTACCTGATCCTATTGTAATGAGTCGTCCTCTGCAGTTTTCTCTGA  
TCTTGACCCAATGGTCGAAATATTGAGTATGGTAATCATCTTCCTGTAGATTCGATGAGCAGACCTGGACGT  
GAAACTGTCCCTCTCCCTCTGATGCCTCCAACACTTTATATGTTGAAGGACTTCCTCCAGATAGTTCCCGGCG  
GGAAGTAGCTCATATTTCCGCCCCCTTTGTGGGATATAAAGAATTGAGACTTGTGAGCAAAGAATCTAAACAT  
CGTGGTGGGGACCCCTAATATTATGTTTTGTGGATTTTGCAAACCCAGCCTGTGCAGCAACTGCCATGAGTG  
CATTGCAAGGTTATAAAATGGATGAACAAGATCCCGAATCTAATTATTTGCGACTACAGTTCTCACGACATCCA  
GGTCCGAGGTCTGGTTTTGGATCTAGCGGCAAAAGGTGAATAAGCTATAGAGACAGGACGACCAATTTAAAT  
GGAGACAGTGCTTTCTTCTAGTACACATTTTACTAGCTGCTTATGCATCCATTATATGTTAGACATGCTGTTGTT  
GAGATAGCCAAATTGTAGCCGGCCCCATTGAATATTAAAGTTGCTTGAATTTAGGGGGATTAGATTCAAAGT  
GTTTCAATAGTCATATGTGCAATTGAATTTTGATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1203 AL161596|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 92

ATTTCAAATCCAAAGATCTTCTCTTTTATCGCTTCTTAATTTGAATTCCAATTCCTTCTTCAAATATCAATT  
TTCATAATATCTTCAAACCCACAAAACCTCACTCACTCGCTTTCCCCTCTGTTTCATCAGATTCCTTCTTCTTCT  
CCCACTCCCAATATGGATAGAACTAAATCCTCTTCAAATCTCGCCCATCCACCGCCGATCTGCTCACCTGGT  
CTGAGGTTCCCAACCTGAATCTTCCCCGCCCCTCTCCGCTTCCGCCCCTCGCTCCACAGCCGTCCGATAGAA  
TCAGTAAAGTGCTCCAAGGGGGTCAGCTCACGGATGAAGAAGCCGAGAGCTTGATGAAAAAGAAGAACTGT  
TCAGGGTATAAAATGAAGGAGATGTCTGGAAGTGGAATTTTGCATCTAATGGTGAAGGGGATGAATCGGAA  
CTTGATAACAAAACAGGGCTTCGGATGTATCAGCAAGCCTTGAATGGAGTTAGCCAAATATCCTTCGCTACTG  
AAGAGGGGTTATCTCCTAAAAAGCCTACTTCAATTCCAGAGGTGGCAAAGCAACGTGAGTTAAGTGGGACAT  
TGCAGAGTGATCCTGATGCCAGGAGTAAGAAGCAGATATCAGATGCTAAGAACAAGGAGCTAAGTGGACAC  
GACATCTTTGGAGCTCCACCGAAATAACACCAAGATCATTGGCAGCTGCGCGGAGCTTGGAAATCGAAAGAA  
AGTAAAGATATGGGTGAACCAGCACCTAGAACCCTGAGAACTTCTGTTAAAGTTTCAAACCCTGCCGGAGGCC  
AGAGTAACATCCTGTTTGGTGAAGAGCCAGTGATGAAGACAGCTAAGAAGCTACACAACCAGAAGTTTCAAG  
AGTTGACTGGTAACGATATATTTAAAGGAGATGCTCCACAGGAGCATCGAGAAATCGCTGAGCTCGGCCA  
AGCTAAGGGAGATGAGCGGGAACGACATATTTGCTGATGGGAAGGCAGAATCAAGGGACTACTTTGGGGGA  
GTTTCGTAAACCTCGGGGTGGAGAAAGCACCATTGCGTTGGGTTTATTTAGCTCCTAATTTGATTGAATTGTC  
TGACATTCATGTCTGTTTCTACTTGAACCTTTTATTGTTATTTAGTGATCACTTGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_1204 AY106456|Zea mays PC0087051 mRNA sequence

AAGCTAAAGTTGGTTATGTCGGCCCGCCTACCGAATTCAACTATGATCATCAACACCTTGGAACAGGACCTCA  
AACGCTTGTTGACATAGTTGAGGGTCGCCATCCATTGCGTTCGATCCTCAAAAATGCCAAAATCCTGCCATCA  
TTGTTGGTGCTGGACTTTTTGAAAGAAATGACAAAGATGCAATCTTTCTGTAGTCGAAAACATTGCCAAACA  
GAATAATGTGGTCAGACCTGACTGGAATGGTTACAACGTATTGCTTTTGAATGCTTCCAGGCTGCAGCACTT  
GACCTTGGACTCGTACCAGAATCAGTAACCAGCATCGAGTCTGCAAAGTTCGTATATTTGATGGGAGCCGATG  
ATGTGGAATTGGAGAAGGTCCCAAAGGATGCATTTGTGGTTTATCAAGGACACCATGGGGACCGAGGAGTCT

>trans\_c\_1205 BT015392|Arabidopsis thaliana At1g72510 gene, complete cds

>trans c 1206 FJ594403|Glycine max dihydroxyacid dehydratase mRNA, complete cds

GTGGTTCCACTAATGCAGTGCAACACCTTGATTGCTATAGCAAGGTCTGTTGGTTTAGAGTTAACCCCTTGATGAT  
TTTCAGAAAGTTAGCGATCAGGTTCTTTACTTGGCGATCTTAAGCCTAGTGGAAAATATGTAATGGAGGATA  
TTCACAAGATTGGAGGAACACCTGCAGTCATTCCGTATCTGTTGGAGAACGAACCTTTAGATGGAGATTGCAT  
AACTGTCACGGGAAAGACGCTGGCCGAAAATGCTAACTTTTCTTCTCTATCTGAAGGGCAGGAAATTATC  
AAACCTTTGGAGAATCCCATCAAGGAAACAGGGCACCTTCAAATATTATACGGAAATCTTGCTCCTGAGGGTT  
CAGTGGCTAAGATTACTGGCAAGGAGGGGCTATATTTCTCTGGTCCTGCTCTTGTTTTGAAGGTGAAGAATC  
GATGATTGCAGCTATAACAAAGGACCCCTCAAGTTTTAAGGGGAAAACAGTGATCATTAGAGGTGAAGGCC  
TAAAGGGGGACCGGAATGCCTGAAATGTTAACACCCACTAGTGCAATAATGGGGGCAGGTCTGGGGAAGG  
AAGTGGCATTGCTGACTGATGGTAGGTTCTCCGGAGGTTACATGGCTTCGTGGTCGGTCACATCTGCCCCGA  
AGCATTGGATGGTGGTCCAATCGGATTGGTTCAAATGGCGATATCATCAATGTTGATATCAAGAACCGAAGA  
ATCGATGTTCAATTATCCGATCAAGAGATGGAAGAACGAAGAAAAAACTGGGTTCCACCTGCATACAAGGCT  
ACTAGAGGCGTTCTTTACAAGTACATCAAGAGCGTGAAACCGGCATCGAAAGGGTGCGTGACAGATGAGTAA  
GACTAACCTGTAGGCTGCAGTTAGAGTTACACCAGAAACAGTTCGTAGAAGCACTTCTTGCTTTCTACAGCCA  
ATTTTCTAGAACGCCTTCTTTATCCTCTCTTTCCCTCTCTCTACCATTTTGTTTCAAGTCATTTTATTTGTTGA

GGAAGACAGTGGAACAGGCCATGCATTTGGTGTATCCATTTAATTTAATTAGTGACGTTTTATCTAATTTTT  
AGAATCGAGTATATATCGAATACATTGATTCTTTGGTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_1207 DQ026508|Juglans regia hexose transporter 1 mRNA, complete cds

GGATCATTGGTTCTTCCAGATACCCCAAATTCATGATCGAAAGAGGCCAAATCGATGAAGCCAAAAAGAAAC  
TCAGAAGGGTACGTGGAGTTGAAGATGTGGAAGAAGAATTTCAAGATTTAGTTGCAGCCAGTGAAGCCTCTA  
AACAAGTAGAACATCCATGGACAAATTTGCTACAGAGCAAATACAGACCTCACCTCACAATGGCTATATTAATT  
CCTTTCTTCCAACAATTTCCGGCATCAACGTCATCATGTTCTACGCTCCTGTATTGTTCAATACCATCGTTTCA  
AATCCGACGCGTCTTAATGTCTGCTGTAATCACTGGCTCTGTTAATGTCGCTGCCACAATCGTTTCGATTTACG  
GCGTCGATAAATGGGGTCGAAGATTCCTTTTCATTGAAGGTGGCATTCAAATGCTTATTTGTCAGGCGGTTGT  
AACTGCGGCAATTGGAGCTAAATTTGGAGTGAGTGGAATAGCGGAGAATTTGCCCCAGTGGTATGCAGTTGT  
GGTGGTGCTATTCATATGTATCTATGTAGCTGGTTTCGCGTGGTCATGGGGACCTTTGGGATGGTTGGTTCCA  
AGTGAGATATTTCCATTGGAATACGTTGGCTGCTCAAAGTATCAACGTATCTGTAAACATGATCTTCACATT  
TGCAATAGCGCAAGTGTCTTGATGATGTTATGCCACATGAAGTTCGGTCTGTTCAATTTCTTTGCGTTCTGGG  
TGTGTGTGATGACAATATTCATCTACTTCTTCTTGCCAGAAACAAAAGGAATTCGAATAGAAGAAATGAGTAA  
AGTGTGGAAGACACATTGGTATTGGTCAAGATTCGTGACCGATAACAACCTTCAAATTTGGAGCCTTAGAGATG  
GGGAAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGATCAAATCATCAAGACAGTTTAATTAATTTCTTTCTTTAGTGTAAAT  
TTAATTTAGACTTTAGGGTTATTGACGTTGACATAAGTTTGGTTATAATTTTTCTTTTCTTTTCTTTTTTTG  
TTTGAAGAGTTGTAGTGGTTATGTATACCTCTCGTTCTTATTGGTATATAGTGAGAAGAGAATATATTCTAC  
GATTAATAATAATAATAAAAAAAAAATTATCACTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1208 AF442392|Arabidopsis thaliana WRKY transcription factor 22 (WRKY22) mRNA,  
complete cds

ATTGTCTTTTTGAGAATTATTATTAATTATTGTAATATCAATGGAGGATTGGGGTTTGCAAGCAATTGTAAAAG  
GGTGCAACGGAATACCAATTGGTTCTTCAACAACAGCAGCAACAACAAGGCTTATGGAAGATACAAATAATTT  
GTATTCTTTTTGAGATCAGATCAAGAAGAAGATGGAGGATTTTTTCTTCTTGTTTATAATAATTATTATAA  
TCCTCAAATTTCAAGTTCTTCAATATTTTCATGATGAGTTTGAAGGATTATTTGGAAGGAATTCATCCAATAATTC  
AGCAGCTGCCTCCATTTCTCATCTTCTTAGAGATTTTAAGGAACCTGCTGATCAAAAGCTTCATCACAAGAACC  
AAATTATCCAACCACTAAACAGAAACAAAGCAAGAAAAGTAGACAAAATAGGGTAGTGAAAGAGGTGAAA  
GCAGATAAAGTATGTTTCAGATTCATGGGGATGGAGAAAATATGGACAAAACCAATCAAAGGCTCTCCATAC  
CCAAGAAGCTATTATAGATGCAGCTCCTCGAAAGGATGTTCTGCTCGAAAGCAAGTCGAACGTAGCCTCTCCG  
ATCCCGAAGTCTTTGTCGTAACCTACACAGCCGAGCACAACCATGCCGAGCCTACTCGCCGTAAACGCCCTTGCA  
GGGACCACCCGGAAGAAGTTCCCGGCGCTTGAGAACCCGAATTTGGACATGATTCTCTCACCTAATAATTGCA  
CTTCAGTGGCATCCATTGAAGAAGATCAACATCATCCAATGGAAGGTGTGGCAGATGGGGAAGTTTTGATGG  
ATATGCCATTTGAATTCCTTCACTGGTTTGGAGGATTACTTTTTGGATGACGACTTATCCTTTTGGGGAAGTGA  
TTATATTGTTGTTCAATTTATGAATATGAAATAGCAATTGTAACCTTATGATCTCCTCTTCTTGAAAAGAGCA  
TGTACGATCATGATGATTAAGGGTTTAGTGGGGTGAATTATTTGAAAGAAAATGGAACAAATGGTACAGA  
GAGATGTCTTTTTCAAAAAGAAAAAAAAAAGATTGAGATGGTTTTTAAACGGGATGGGAGAATCGAAATC  
TCTAACATAAAATTGAGTTCATGTTAGTTAAGCTATGTGAATGAGACTTGTGACAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1209 NM\_180844|Arabidopsis thaliana ATGB1 (ARABIDOPSIS THALIANA GTP-BINDING  
PROTEIN 1); GTP binding (ATGB1) mRNA, complete cds

TGATTGATGCTGCTTGTCTTCAAATTTGAAGATTCCAAATCTGCACTGGAGAAAGTTCTTCGACATGAGGAT  
TTGCAAGGAGCTCCACTTTTGGTTCTAGCAAACAAGCAGGATCTTCCGGAAGCAGTATCAGCAGAAGAACTTT  
CTCGTTATCTCGATCTTAAAAAGTTGGACGAAAGAGTCTACATGTTTGAAGCTGTTTCTGGTTATGATGGGATG  
GGGATAAAGAATAGTGTGCAATGGTTGGTGGATATAATGGAAAGAAGTAAAAGAACCGAAATATTGAGAGC  
TCGAGCAGGTGGGGCTGGTCTCCGTTCTGCTTAGATCAAATATGAAACAATTATAGTTGGTCTATATTTCTTCC  
ATAAACTTGTGGACAAACCAGGTTCCATATTAGATCCTCCATGCTTTAGAAAGCTAGGTTCCCCCAGTACATCT  
GATTGCCTCACTCTACATCTTTTGAAGTGCGAAGAACTACCAAAATCAAGCTGAAACACTTCATATTTGCCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACCTAA  
ACAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCCGGAACCAATCCCCCAAAAGGGAGCCAAATAACCCCCCCCCA  
CGGGCCGCTTTTAAAAACGCCGGGACGGGAAAAACCCGGGCGTTCCCAACTAAACCCCTTGCAACAAACC  
CCCCTTCCCCAGCGGGGAAAAAACCAAAAGCCCCCCCCCAACCCCTTCCCCAACATTTGCCACCCGAAAG  
GGCAAAGGGAACCCCCCGGAACCGGCCCATAAACCGCGGCGGGGGGGGGGTAAACCCACCGGGACCCC  
AACCTTGCCAGCCCCAACCCCCCCCCCTTTCTTTTCTCCCTTCTTTCCCCCACGTCCCCCGGTTTCCCCC  
GTAAAGCTCAAAAACGGGGCCCCCTTAGGGTCCCAATTTAGGGCTTTACGGCCCCCAACCCCAAAAACT  
TGATAAGGGGGAGGGTTCACGTAGGGGGCCACCCCCAAATAAACGGTTTTTCCCCTTTGACTTGGAAGCCC

>trans\_c\_1210 BT026047|Arabidopsis thaliana At4g25770 mRNA, complete cds

ACCGCAGTGAGTGTAATTCTCAAGATCAACATTTGATGGGGTTGACACAATGGGAGAAAGACTGGCTGAAG  
AGGTGTTAGGTGTCATAAGACGAAGGCCAGAGTTGCAGAAAAATTCCTTTGTGGCCATTCTTTAGGTGGGCT  
TGTCGCAAGGTATGCCGTTGGAAGGCTTTTTGATCATATCCCTCAATTGAAATCCTCAGGTGCTGCTCAAAGTT  
TCTCTACGGACGAGCAGAAGCAACATATTGAGCAATTCCATCATAAAAAAATTGCTGGATTGGAGCCTGTGAA  
CTTCATAACAGTTGCAACTCCACATTTAGGTTACGGGGAAATAAACAGTTTCCAGTTCTTTGTGGTCTTCCTT  
CTTGAGAGAAGAGCCTCTCAACAGCTCACTTAGTTGCTGGGAGGTCTGGGAAACATCTATTCTCACTGAC  
GATGAAAATGATGGGAAACCTCCTCTTCTCCTTAGAATGGTTACTGACTCTGAAGATCTAAAGTTCATCTCAGC  
ATTACGTGCATTTAAGCGTCGGGTGGCATATGCAAATGTGAATTATGATCACATGGTTGGGTGGAGAACATCA  
TCTATTCGCCGTCAACATGAGCTTCCAAAGTCAAGTGAGCTTATAAAAAACGACAAATACCCACATATTGTCTA  
CGAGGAGCAATCAACTCATGATGATGTCTGCAATAACGCATTGCAGGACCAAAAACTCGACTTAGAAGAGGA  
GATGATTAGAGGTCTCAATCAAGTTCCTTGGACTCGAGTGGATGTTAGCTTTCAGAAAAGCAGACAGAGATAC  
ATTGCTCACAGTACCATTAGGTAAAGAGCTATTGGTTGAATTCCGATGGTGCAGATGTGGTTTTTCACATGAT  
TGATAACTTCCTTTTATAAAAAGAATCTCAAACTTGGGATGAGTTGTTTGCAGATACACTTATCTGCAATTTTCA  
GTAAATTTTTACCAGCCATACATAGTCATGTATTCTTTATTATCAGTGGCGAATCTTTAGAACATCTTTTACATTA  
GCTCATCATTGTTCTAATATTTTATGATTCTCAACCCTTGATTTTTCTTCACTATGAGCACACCTTTTTTTCTTC  
CTGAGATATCCCTGCGTTTGAGTTAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1211 EU872018|Halimodendron halodendron dehydration responsive element binding  
protein (DREB2) mRNA, complete cds

ATCCTCCTAAGCTTACCTTAGTTAGTTCATCGATGCTCCATAAAATAATTATGCAATTTGCAATTCCTTCCTCTT  
CTTTTTTCTACTAAAGTACCAAAAAAAGAGAGAGAGATCAAATTGTTGGATTAGATAGACAGACAGACAGA  
GTGACAGACGATTGAATTTGTGCGCCATCTTTGAGTTTGTCCCTTCACCTCTCGACGACGTGGTGGCCGTACC  
AATTCTCTATTTACACACTCCCTCTCTTCTCTAATTCTTTACATATAAAACAAATACGCACACACCCAACTTCA  
TTCCTTCCCCTGTTATCAAACGCCGACCCCTCCAGTACTCCAATTCCAAGTCTTCTCTTCCACTTTTCTTCACTC  
TCCTTCCGGACTTGGTCTCTTCATAATCCTTTCTTTCTTTCTATATTATCCATACTATGGTTGTTCTATAATTTG  
CTCTCATACACTCATACCATGGAAGAGTCCGTAGACACCACTATTCCGGAGAAGCGCAAGCAATCGGGGCGA

CAAGAGAAGCCATACAGAGGAATTAGGATGAGGAAATGGGGAAAATGGGTAGCCGAGATCAGAGAGCCAA  
ACAAGAGGTCTAGGATTTGGCTTGGTTCTTACACAACCCCTCTCGCCGCTGCTAGAGCCTACGACACCGCAGT  
CTTCTACTTACGAGGCCCATCCGCCCCTCAACTTTCCGGACCTGATTTTACAAGACATGGATCACCAGCTTCT  
CGACGTTTCACCTTCTTCAATTCGAAAAAGAGCGATTGAGGTGGTGCCAGAGTGGACGCCGCCGCTCATCAA  
ACTTCTCTCCGCAATCCAAACCCATCTCCGACAAGCCGACTTGAACCAGTTTCCAGACCCAGAAAGCTCTGA  
TGAAGATTAATCGACGATCACTGTTTCATAGCCTTTTCCACTTCTGTATTTACCCCCTGTTTTTCTTTCCCATATC  
TCCCCTCCGAAAAGAGATTCAAATCCTGGGGATTTTGGAAATTAATTTGGAATGGACCCATATGGTTCCCTT  
CCTGATTTGCTATATATCTAAAAATATAGCTTCGAATTTGTAACAGGGGTGATGGTAAACAAATATGTTGATC  
GATCCCTACAGTAATCTATCTTAATTTGTTATCTTCCCTGCCAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1212 AB041515|Nicotiana tabacum NtElG-E80 mRNA, complete cds

ATAAGCCGGCGTTGCTCTGTTTCTCTATTTATAGTTCTTTCCTTGAATATCGTAACAACACTCATCTTTCCTT  
CTTTTTCTCCACAATTAATTCCTTTTTTTTTTCTTTTTATATATATATACACAAAAACAAAACCCCTCTCTCA  
AATTCCTCCCTCCATATTTATATTTCTTAGCCACACACAAACATCGTCTCTATATTCTCAATGGCTATCCCCAACA  
AATTGGCTTTCTCCTTTTCATCTCATCTCTCTTCGTCTCTGCAGCCTTTGGGGAGATTGTGTGTGAGGAATTGT  
CCGTGGATGTTTGTGCATTCTCAATAGCCTCATCGGGAAAGAGATGTTTGTGGAGACATCAGAGACGAAAG  
AAGGAAAATTTGAATATCAATGTAGAACCTCTGAGGTTATGGTTGAATGGATGGCTGATTACATTGAGACTGA  
TCAATGCATCAATGCTTGTGGCCTCGACCGCAACTCCGTTGGTATCGCCTCTGATGCCCTCCTCGAGCCTCAAT  
TCACTGCCAAGCTTTGCTCCCCTTCTGCTACCAGAAATGTCCCAACATTGTTGACCTCTACTTTAACATGGCCG  
CAGGAGAAGGAGTATTCTTGCCCGACCTTTGTGAGAAACAACGTACGAACCCACACCGTGCCATGGCAGAGC  
TGTTGAGCTCCGGTATCGCCGAGCTCCAATGTCGTCAGCAGAAATCAATGCAGTATCCCGGCAGCAGAAGC  
CCCAGCTCCGATGTGAAAAGAAAGTTAATTTCAATATTTGGTTGGTTATTGTTTCTTCAATATTGTTAATTTAATT  
TTCCTTTGTATACACACACACACACAGCTGAGGAAATAAAATAGAATGGGTAAATGGGTGTGAGGGAGA  
AATTAACAAAAAACGAGTGAATTTCTTTAAATTCACCTTTATTTTATATCACTATACGTGAGACGTGACGAT  
GTATTTACGTCTTTTTCCATATACTATTTTTCTTTCAATATCCCCCCACATATATATACATAGAGTGAGTTG  
TGTAATAAACGTTGTTTGATTTATTTTTGTTTATTATTTCTTCTCCAATTAATCCATTGACTCTAAAGACAA  
GTTGCTGTATAAGAAAAATACCGATCAAATTAACCTGTACTGTTTTTGT

>trans\_c\_1213 XM\_002329565|Populus trichocarpa light harvesting-like protein 3 (Lil3\_2), mRNA

AATTACAAGGCTGAGGATAGAGCTTTAGAGCAGAAGCTCTCTCCCTCCCTTCTCCATAACAACAATGTCCTCCA  
TGGCTTTGTTTTCTCCTTCATCCCATCTTTCTACTCTCTCTCCTCCTTCACACCACACAACCCATTTCTCCTTCAGA  
CCCTTTTCTTCTCAGAACCCAGAAACCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCTCTCTTCACTATCAGGGCCACAGC  
TGACAATGGTGCCGGAATCTCAGGTGGTTCAGCTACTGTTGCTGTAGAAACCCCGTCGAGCAGAAGGATCC  
GGAGCCGGCCGAGGAGAGCCTCGCCGGAACCAATGGGTGGTGGCGGCTGCTGAAGAAGTTGTCGAGGTG  
GTTAGCAAATTTGAAGACCCTAAATGGGTAAATGGGACTTGGGATTTGAATCAGTTCCAGAAAAATGGAAGT  
ACTGATTGGGATGCTGTTATTGATGCTGAGGCTAGGAGGAGGAAGTGGTTGGAAAAACAATCCAGAATCATCA  
AGTAATGAGGACCCTGTGGTGTGTTGACACATCCATAGTTCCTTGGTGGGCTTGGATTAAGCGCTACCATCTGC  
CAGAGGCTGAGCTACTCAATGGGCGTGCAGCCATGGTGGGGTTCTTCATGGCTTACTTCGTTGATAGCTTGAC  
AGGGGTAGGACTAGTAGGTCAAATGGGCAACTTCTTCTGCAAAACATTGCTATTTGTTGCTGTGGTTGGAGTT  
CTTTTGATAAGAAAGAATGAAGATATAGAGACTCTAAAGAAGTTGATTGATGAAACAACATTTTATGACAAGC  
AATGGCAAGCAACTTGGCAGGATGAAACATCCTCAGGCTCAGGCAAAATGTAATACGGGAAAAGTTGCCTGT  
TTCTTGTTTTGTATGGATTATGTTTGTATCTCTAAAGATTTGGGCTAAGTAGAGAAAAGATAATGTGAGCTCTG  
AAAGATACTAAATCTTATAGTCTCAGTTAAATGCTTCTGAAGTTGAGGCTTCTCGAGTTTCAATGAAAATCTC



TCCAAAAGAGCCTTGCTTTATCTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1214 NM\_127633|Arabidopsis thaliana lumazine-binding family protein (AT2G20690)  
mRNA, complete cds

AGGATTTTCAATTCCAATTTCTCACTCTCTACTTGCATTGAAACAGAGTTTGAAAGAAATGTCTACTTTTTCTTCC  
CTCTCTACTGCTACAGCACTCTCCAATATCCCCAGAATGCTTCCTCCAATGGGGAATCTTCATCTCCCATCTCC  
CAATTTTTCCCCAACTTCAATTTCAATACCAAAACGTCTCTTTTCACTCTATTCACTTCCACCCACAAGCCCCAAC  
TTTGTTACAGATCTCGCCCTAGGGCTCCGTTCAATGTCTTTTCACTGGCATTGTTGAAGAAATTGGCCATGTTA  
AAAATTGGGTATTGGTGAAAATGGGGGATATGATTTGGAAATTAATGCAAAAATGTTCTTGAAGGTGCTA  
ACCTTGGAGATAGCATTGCTGTCAATGGAACCTGTCTTACTGTCACTGCTTTTGACCACCAACTATCTGAATTCA  
AGGTGGGGTTGGCGCCTGAGACGCTTAGGAAGACTTCATTGGTGGAACCTCTCGCCTGGTTCACCTGTGAATTT  
GGAGAGGGCGGTTCAACCAATCAGCCGAATGGGTGGCCATTTTGTGCAGGGGCATGTGGATGGGACTGGGG  
AGATAATATCTATGGATCCTGAAGGGGATTCCCTGTGGATTAAGGTGAAGACATCAGAGGCTTTGCTGAATTA  
CATTGTACCAAAGGGATTTATTGCTGTGGATGGGACTAGCTTGAAGGTAGATGTTTTTGATGATGAGAAG  
GCTTTTAACTTCATGTTGGTTGCTTATACTCAAAAAATGTGGTCATTCCGTTGAAGAAAGTTGGACACTTGGT  
GAATTTGGAGGTAGATATTCTTGGCAAGTATGTGCAAAGACTCCTCAGTAATGGTGCCATCAATCCATTGAG  
TCTACATGATTGCAAAGCCTGGAGGGAAATCAAAAAGGTCTCAGTAGTTGCAATCTCAATCTTCTTCTGCATAA  
AGTTTTTCTCCTGCCTGGTTATGTTTTAACCATCATCAAAATTTGAGACTGGGAATGAGTAAATGATCTGATGTT  
CTACTGTCTTATTGTCTTGTGTCTGTGTGATTAAACACGGTTAGACGAGGTGACTACTTGTATTATGAATT  
TCAACCCTTTTCTCAGGGAAGTAAGGCTTAATACGTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1215 BT024705|Arabidopsis thaliana At2g39650 mRNA, complete cds

TAGTTTTGTGATTTATTATTGTCCTGCACGTTTTTCTGATGAAACCATGTAGATGATGGGTATAATTGATTAAC  
TCTTACAATATGTTGTTTATTCTGCGTGTCTATAAGAATCCAGTATCCCAGTACGAAAGTGATTTGCTTTTCA  
TTGTTCACTTCACTTACCTTGCAATGAATGCGAAGGATCTGAACATGAACAAGACCGGTCTTGAATGCTAGT  
TGTATCCGTTTTGTTTTGGTGAAGCTACTGCGACGCTCCGTTATGATGCTGCCGTATGTACAACCAGATGGC  
ATTTGTATGGCAAGGTCCCTGGAGGTATCCCCTCAAAAAACCTTATTGATCTTACTTCTAAAGATGGAGAATT  
TTCTGTTGAAATAACAAATAAAAAAGATAAAAAAACTCAATTGGGAGTGTGTGGGTGTGGTTTAATTACTTTTTA  
GTTGTAAATCATTTTTAAGCATAAGAATAAGCTTCTCTTAGTAATTTATTCCATCAGAAGTTCTATTCTCTGCT  
TTTTAGTGGTGCTTTAGGGTATATTATCTGGGAGTTTGATACTCTATTTTATGAAGGAATGAGGTTGAACTT  
CTCTGCATTTCTCCAGCACCGTTTCTTATTTGACATAACGCGTTTTGCTTTACATCTACAGGAGATCATGAGTA  
TATTGATGTCGTTAACTACACCTCTGGAAGCTCGGAGAGGTTGATTATCGATATCGACTCCGAAGCCACTTTG  
AAATAGCCAGGGCAGTCGAATCCTATGATAGAATATTGAATTCTTCCAGTAATCTATGTTGGATCATTATCC  
CGGCTTAAGCATTTCCTTCAAATTATGGTTGAAGCTGCAAAGTCTTCACTTAAGCTAACTCCATGCCACTTCCT  
CCGTGGAGATCCCTTGCCTACTTGCAAGCCAAATGGCAATCACCAAGCCAGAGAATGCTTCATCCCGAAGAAC  
AGCAGCAGTTGGGGGCCAAAGACATGTTGATGAGCCACAAGCAATGCATTGGACACTTAAAGAGACTTCAGT  
CAGTACTCCAATCAGAGACTGAAACAGATCGGTTTTTGAGGCCGGTGAACAGTGATAACATTAGGAAAATAA  
AGACCGAGAGGCGACGACACTCTCTGTTGAGAACCATTTGACAAAGAGATGTACAGA

>trans\_c\_1216 AB018441|Nicotiana tabacum phi-1 mRNA, complete cds

AATCTCTATCATTTCAATGTGATCTTCTTCTTCCATTTCCCTTCTTCTCATTCTTCTTCTCACTCTCTTTTT  
CCTTCACTTCTTCTCCTCCTCCGCCGAGAAACCATCTTCTTCTTCCATTTCCACGGCGGACCTCTTCTCTCC  
GGCAACATCTCCCTCACTCTCATTTGGTATGGCAATTTCAACCCTTCTCAGAAAGCCATCGTCATCGATTTCTC

TCTTCCCTTTCTTCTTCAAATCTATTCCCCAAACCCCTCTGTTTCCACTTGGTGGAACCTCTGTTCTCAAATATCA  
TACCATTTCCAATTCCAAACCTCTTTCTTTCTTTAGCCTCTCAAATCCTCGACCCCAATTACTCCCTTGGCAAAT  
CCCTTACCAATTCCCACATTCTCTCTCGCTTCTAAAGGCGGTACAGAAATCAATCAATCTCGTCTTAACTG  
CCGCCGATGTTACTGTGACCGATTCTGTTTCAACAGATGCGGCTCCCATGGATACTCTCACGGAGCTCCCAT  
AATGGGAAGTCCTACAAATTCGTTACATTTGGGTGGGGAATCCCAAACCAATGTCCGGGTTACTGCGCTT  
GGCCTTTCCACCAACCATTGTACGGTCCACAGACTCCGCCGTTGGTTGCGCCTAACAATGACGTTGGGATGGA  
CGGCCTTGTCAATTAACCTTGCTGCTCTTCTCGCTGGAACCTGCCACCAACCCCTTTGGGAATGGGTTCTATCAGG  
GCCCTAAAGAGGCTCCGGTAGAGGCAGCGTCGGCCTGTACCGGAATCTTTGCAAAGGGTTATTATCCCGGAA  
TTCCTGGGGAGCTTCTTGTGGACTCGGTTACCGGTGGGAGTTACAATGCGAACGGTGGGAATGGGCGGAAAT  
ATCTTCTTCCGGCGGTGTTTGATCCCACCACTTCTGCTTGTCTACTCTCGTTAATGCTTAAACAAACGGCGTA  
TTCGATCATCGGCATTTCAAGATCAATTAGATTCATTGTTTTATTCAATTTAAGGACTTTTTTTTTTTTTTGGTATA  
TTTGGTTCATACTGCAGACGTTATTATTATTTGTAAATGGTAAGTTAACCACAATTTTATTAATTAACCTTTAAAT  
AAAAACTCATTTAACTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1217 NM\_001057250|Oryza sativa Japonica Group Os03g0633900 (Os03g0633900)  
mRNA, complete cds

AATCAACTAACACCTTTCCTCAAACCCCTCGCCAAAAGTTTGGCGCGAAGAATAAAATACAAGTCCAAGATAA  
GAGCGAAATCTAGAGCGATGGTAATGGCGTTGGCGTTAGAGCAAACCCTAACTCTTCTTCTTCTATTCTCATCA  
AAGAATTCTATCTTCTCCATCCCTAGAAACCAATTACGAATCTCTTCTTCTTCCCTTTTCACTCGTATCTAAACC  
CTCCTAAACACCTCCGTTTCGCTACTCGTTTCCCAAATGCTCGGCTATGGAAAACTACACCAATTACTCTGCTG  
TAACCTACCCCAAACCTTCCGAAATTCATGGAAGAAGGAGCTTAGTAACCTCGGTCACTCTCATTGGGACCGTT  
GGTCTGCCTGTGGAGCTCAAGCACCTGCCATCTGGCAAGGATGTGGCTTGGACGCGACTTGCTGTTTGAAG  
TCTTCTACTGAAACATCTTGATAAGTTTAACATTCTGGGATGAATTGGCACATATTGCATCTCAGCACGTCCA  
GAAAGGCAACCAGATATATGTATCTGGTCGGCTGGTAGCAGATTTAGTTGAAGCTGATGATGGGAAACAGCA  
AACATACTATAAGGTAGTGGTTCAGCAACTGAATTTTATAGAAAGAAGCAACTCAACAGCACCCCATACGAC  
CAAGATTCTAATTCCATAATGGCAGGGAGAAAGCCAGCAGTGGTGCTGTTGATAACACAGCGTCCACACAA  
GAACTATGGCAAGCATTCTTTGCTAATCCCGTTGACTGGTGGGACAATAGGAAGAATAAGAAGAGCCCAAAA  
TATCCAGATTTTAAACACAAGGACACTGGGGAAGCCTTGTTGGGTTGAGGGCAGGTATAATCCACCTTGGGTG  
AAGTCTCAGCTTGCATTATTGGACATGAGAATGAGTTCTTCTGATGATCAGGAAGTCAAAATGACCAACTTTGT  
ATCTAATTTTGATTTCCATCTTATTAACTGACCTTGGATTGCTTTAAATTTGTTTCCAAGAGGGTGTCAAATT  
ACCACCCTAGGGTGTTCATTTCCAAGAGGGTGTTCGAAGAGGGTGTACCAAATATATTGGAAAGATTCTTT  
TATGATATCTGGCTTGATAGTTTGTAAATTTGGTGTATTGTATATTGGTTGTTAGAAATTCAA

>trans\_c\_1218 AY022217|Oryza sativa microsatellite MRG4542 containing (TG)X14, closest to  
marker R2708, genomic sequence

TATGTTGGAACCTCTGGATTTCTTTTACAAGTTGTTAAATTTCAATTCATTTTCTTCTCTGTCATGATTTATGTT  
GGCACTCTGGATTTCTTTGTTGTTGATCTTTGTGATCAATTGTGTTATTGATGTTCAATTCTGGATTTCAATTTGAT  
TTTTGTTTCTCTGTCATCATTTATGTTGGAACCTCTGGATTTCTTTTACAAGTTGTTAAATTTAATTTAATTTTCC  
TTCCTCTGTCATGATTTATGTTGGAACCTCTGGATTTCTTTTACAACCTTCTTCTCTGGATTTCTTAGTTTAAATTT  
CATTTGTTCCATTGAATTTCAATTTTGTGCTGCTGTGTACTTGTGTTGAAAAAATATTCTGCCTACTCTGTACAG  
GGTTTGACTGCTTTTCTCAAATCCCTATTTTATGGGATTCTTCTTTGACTAACTAATTTCTGTATACCTATTTA  
TTACTATATATTTGGATGTCCTCACAGCATTACATGCCCCATTCTTCCCGTTTTCTTATACTTTGCAGTCCCTT  
TGGTATGTTTATAAGATTTGTTTCTCTAATTGCTTTTCAATACATTTGCCACTTTAGCCACTGTTTTCACTACTTT  
ACGATTGAATAATCTTTAATCTAATTTTAAAACACACTTGTGTTGTTTTTACAATTGCCACTTTTCTATGTGC

TTGAAATTTTTCGTACCTAATTTTTTTTACAAAACAAATATGGTTGTTGTAGTTTGATTTCTCCCTATGGCCTCT  
TTTTGGTGTGTAGTCTGTTTTCTTCCTATGGTTTTTTTCCCTTGGCGACTGTATTCTCACACTCCCGACGTTTTT  
ATGAACATGTTGATCTCTATTTTATGTCTCTCGTTGGCTGCTGTTTTTACATGTGATGTTACGAAGTCCACCG  
CACTAAATTGTACCATAAATGCGTCTCTTGAACGTCTTTGATGGTATTTATTAAGTCTGAGGCAACTTTCTTTC  
CCATACATTATGTACTAACACTTTTTTTTGGTACGGTCCCATGGATTTGTAAGCTTTGGTTTCTTTTTAAAGTAGT  
CCTACTTAAAGAATTGTAATTGAGGTACAACGGCTTTAAACCTCATTCAATTTATGAAGTTTATGTATATGTCCT  
GTAATGAATTCTTTTCTTTCTTTA

>trans\_c\_1219 NM\_120161|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT4G39970) mRNA, complete cds

GGAGCATTCCCCGCCACAAAACTCCGACACCGTATCGCTCACCATCTCTGAGGAATGGCGAGCATCGCTACA  
ACGCTCGTTTCGTCCCAATCTCATACCTCTTCCTCCGATCTGGTTTCCCCTTCTCTCCGTCCATCCCTTCTCCCTC  
GGCCATCCGCTTCCGGACCTTCAGAAAATCCACCACTCACAACGTTTCTCCCTTTCAGTCTCAGCTGCTTTACA  
AGCTCTAATATTCGACTGCGACGGCGTGATCCTTGAGTCCGAGCACTTGACCCGCCAAGCATATAACGACGCG  
TTTCTTCACTTTGATGTTTCGTTGCCCTAATTCGACGTCGCAGCCTCTCAACTGGAGCATCGAGTTCTACGACGA  
GCTCCAGAACCGCATTGGTGGCGGTAAACCTAAATGCGATGGTACTTCAAGGAGAACGGATGGCCATCTTC  
AACGATCTTCGAGAAGGCTCCGGAAGATGACGAGGAACGAGCAAAGTTGATTGATATTCTTCAGGATTGGAA  
AACGGAAAGGTACAAAGAAATAATCAAATCTGGAAGTGTGAGTCCCAGGCCTGGAGTACTAAGATTGATGGA  
TGAGGCAAAGTCTGCTGGCAGGAACTTGCTGTATGCTCTGCCGCTACCAAAGTTTCAGTTATTCTTTGCCTTG  
AAAATCTTATTGGAAATGATCGGTTTCAAATCTTGATTGCTTCCTTGCCGGCGATGATGTGAAGGAAAAGAA  
GCCTGATCCATCCATTTACAAAACAGCTTCAAAGAAGCTGGGCGTGTGAGAAAAGATTGTCTGGTGGTTGAG  
GACAGTGTCAATTGGCTTGCAAGGCTGCAACAAAGGCTGGAATGCAATGTGTCATAACCTACACGACTTCCACAG  
CTAACAGGATTTTAAAGAAGCGATAGCAACCTATCCAGACTTGAGTGACATAAGATTGAAGGACTTAGACTC  
CCTACTACAAAATGTTGCCACTACGAGATAGAAAGTTGTTCAATACTGAATTGATTAGATATCAAGGAGCTT  
CCATGAATTTTTTTTGCTGCTGATATTGTTTTGGCATTTCACAATGTACAGGTGTACATGTATTTTTGAATGGC  
AAGATTTAATACTATATAAATATATTTATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1220 XM\_002884770|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glyoxalase 2-2 (GLX2-2), mRNA

CAATTTTAGTCATCCAGAGCCTGACTCATCGAATTTAGGAGATTCTAGACGTTGCATTGAGGAGATTTTATCC  
GTTGTGCGCGACTCTTTTACTGATCTACATTGTACTTCATTGCTGAACTCAACGAGTCAACTCAATCGTTTCTA  
GATTTGGAAGAATCTGCTTCAGCGACGATGAAAATCCATTACATTCGTTGCTTGGAAGACAACACTCTTACCT  
GATCATTGATGAGAGCACTAAAGAAGCTGCGGTTGTTGACCCTGTAGAGCCAGAGAAGATTGTGAATGTTGC  
TAATGAACATGGCGTTCATCTCAAGCTCGTCTTACCACTCATCATCACTGGGATCATTGAGGGGGCAATGAGA  
AAATAAAGCAGCTGGTTCCTGGAATTAAGTATATGGTGGTTCATTGATAAGGTTAAGGGTTGTAAGTATGATG  
AGTGGAATGTTGATAAGATAGCTCTTGGTGTGATGTTGTTATATTGTCTCTTCATACACCTTGCCACACCA  
AAGGGCATATAAGTTATTATGTCTCTGGCAAAGAGGGTGAGGACCCAGCTGTATTCACCGGTGATACACTGTT  
TGTTGCTGGATGCGGTAAGTTTTTGGAGGAACAGCAGAGCAGATGTATCAATCTCTATGCGTCACATTGGGT  
TCATTGCCAAAGCAAACACGTGTGTACTGCGGCCATGAGTACACAGTGAAGAACTTGACGTTTGCTCTGACAG  
TTGAACCAGACAACGAGAAGATAAAAGGTAAGTTGTTGTGGGCTCAGGGCCAGCGACAAGCTGGACAAGCC  
ACCGTTCCTTCTACCATTTGAAGAAGAAATGGAGACAAATCCTTTTCATGCGAGTTTGATCTTCCACAAATTCA  
GGAGAAGGTAGGTAATCATTCTCCAGTTGAAGCTATTAGAGAAATCAGGCGGCTTAAGGACAACCTGGAAGG  
GTTAAGTTGACTGATACCAAACGCATGTCATAGTTTTGGGGTTGCAATCTTGTACGCAGGTATAGCACTTCG  
TAATATCAATAATAAAGCTTAAAAACACTGCGGATGATTGTGGTCTTAATTTGGGGACACAATCCCTAGAAATT  
AAAGCTTGCCTGGGTTGCCTATACACTGAATACAANGTGCATGTGCAACCCTATCTCTCTCAAATGT

>trans\_c\_1221 AJ627178|Capsicum annuum mRNA for plastid S-adenosylmethionine transporter (samt gene)

CTCTTTCTTTGAATGGGGATTGTGCGCGCCGAGTCTCCACTCTCCCAAAGCAGCCGCCAGAATGAGAGATT  
ACCTGATGTTTTGGTGCACGAGGTGAAAGATGCTAAAAATAAGGTCATCAAATTATCTACTGCACTTAATGTT  
GGAGACAATGAGGAGTTTGATTTGTACGTTCTTATATGAAGGCGCTATAGCTGGCAGTGTTGCTAGCTTCG  
TTATTGAAGCTGCGCTATATCCAATCGATACAATAAAAACTCGTCTACAGGCTGTTACGGAGGAGGAAGGAT  
TGTAATAAAGGGTCTTTATTCTGGATTGACCGGAAATCTGGTTGGGATGTTACCTGCCACTGCCATTTTCGTTG  
GTGTATATGAACCTACCAAGCAGACATTGCTCAATTCTCTCCCTGAAAACCTCGATGCTTTAGCTCATTTAACTG  
CAGGTGTCGTAGGAGGAGTGGCTTCATCGATCATTCTGTGTACCAACAGAGGTAGTTAAGCAAAGGATGCAGA  
CTAGCCACTTTGCGTCTGCATCGAATGCTGTCCAAGCTATTGTTTCAAGGGATGGTTTTAAAGGCCTTTATGCG  
GGTTATGGATCTTTCTTACTACGAGATTTGCCATTTGATGCCATCCAGTTCTGCATTTACGAACAACCTTAGGATA  
GGGTACAAGCTAGCGGCGCAGAGAGATCCAAATGACCCCGAGAATGCTCTAATCGGTGCCTTTTCTGGTGCC  
GTTACTGGGGCTATAACCAACACCTTTTGATGTGATCAAACTCGATAAATGGTTCAGGGATCAAATAGCCAAT  
ATCAAGGTATTCGTGATTGCTGTAGGACTATAATGAAGGAAGAAGGAGCACGTGCCTTCTTAAAGGGCATGG  
GGCCAAGGGTATTGTGGATAGGATTAGGAGGCGCTATATTTTTGGCGTTCTGAAAAACAAAGCAGATGC  
TTGCTAATCAGAGGCATCCGCTGCCTGAGAAACCAATCCAATCGCAATGATATGATTCAGGTCATCATTCTAAG  
GGTTCCACATTATCATTTTCGTATTTAAATCCTAAGAAAAATGATATAACTTTCCATTTTCATTTGTTTGATTGCA  
CTTCGAAATAATAATAGTTTCACTTCTTTGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1222 NM\_106200|Arabidopsis thaliana ATP-dependent protease La (LON) domain-containing protein (AT1G75460) mRNA, complete cds

ATACAGTCTCTCTACCAAAACAAGCAAACAATTTTGCTCTCCTTTATCTATAACACTTTTTTTTTCCTTCTGTGA  
AAACACTGGCACCTTTTCAATGGCTCTCCCTCAGCTCATTCTTCTTCTTCTCTTATCCCATAAACCCA  
TTTTAAACCCCAACTCCATTTCTCTTCTTAATCCCTAGCCCTAGATTCTTCTCTCCCGCTCCGCCGCCGCC  
CGCCCTTTTTCGCCATCGCCACCACAAACCAATTCACTCAAGTGTTCTGCTTCATCTTTCCCGAAAAACATCA  
CACCGGCTCTCCTAAATCAGACGATGTTGTTGAGCTTCCGCTTTTTCCCTTCTCTTGTCTCTTCCCTGGCGCT  
ATTCTTCTCTGCAGATCTTCGAATTCGTTACCGGATGATGATGCACACTCTACTCAAACCGATCTTCGCTTT  
GGAGTTATTTACACTGATGCAGTTTCCGGTACCACGGATGTTGGATGTGTTGGTGAGGTTGTTAAACACGAGC  
GTCTCGTTGACGATCGATTCTTCTTATTTGTAAAGGCCAAGAGCGGTTTCGAGTCACTAATCTTGTTTCGGACG  
AAACCGTATCTTGTTGCTGAAGTTACATGGCTTGAGGACCGGCCGTCCGGGAATGGTGAAGAGGATTTGGAT  
GCGTTGGCGAATGAGGTAGAATCGTACATGAAGGACGTGATTGATTGTCGAATAGGTTGAGTGGTAAGCCG  
GAGAAAGAGGTTGAGGATTTGAGAAGGAATTTATTCCCAACTCCTTCTCGTTCTTCTGTTGGAAGCACGTTTGA  
AGGTGCGCCGAGAGAACAACAAGCGTTGCTTGAATTGGAGGATACGGCGGCGAGGTTGAAAAGGGAGAAA  
GAGACATTGAGAAACACTCTTAATTACTTGACCGCTGCTTCTGCTGTTAAAGATGTATTTCTTCGAACAGTTG  
AAAGACAAGTTTGAGAGGTTTCTATCGAAATTCAAACAGATTGAGCTAGATCGTTGAAGCCCAAGGAAGCA  
AATTGAAGGTAATGCTTAAGTTTTGCTTGCCTTTACACGTACTTTATACAAGGGATGGATGTTATTAAAGCTGT  
AAATTTTGATATATAATTGAATTTGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans c 1223 DQ083548|Citrus sinensis pyruvate kinase mRNA, complete cds

AGAAGATCTTCTTGGCACAAAAAATGATGATATACAAGTGTAACTCTTGCTGGCAAGCCTGTGGTTACAGCTAC  
ACAGATGCTTGAATCAATGATCAAATCTCCACGGCCAACCCGTGCAGAGGCTACAGATGTCGCTAATGCTGTT  
CTTGATGGCACTGATTGCGTTATGCTTAGTGGTGAGAGTGCAGCTGGGTCTTACCCTGAAATTGCTGTAAAGA  
TCATGGCTCGTATTTGTATTGAAGCAGAATCATCCTTGGACTATGGTGTTGTTTTTAAGGAGATGATAAGGGC  
CACCCCACTTCCAATGAGTCCATTGGAGAGTCTTGCTTCCTCAGCCGTTCGAACTGCTAACAAGGCAAGAGCA

AAACTCATCGTCGTGCTGACTCGTGGTGGAACTGCAAGTTGGTTGCTAAGTATAGGCCAGCTGTTCCCA  
TCCTCTCAGTCGTGTTCCAGTTTTAACTACCGATTCTTTCGATTGGACTTGCAGCGACGAATCCCCAGCCAGA  
CACAGCCTGATCCACAGAGGCTTGATTCTATATTGGCTGAAGGATCTGCTAAGGCCACAGATGCCGAATCCA  
CAGAAGTAATACTTGAAGCTGCACTGAAATCCGCTATGGGGAAAGGACTGTGCAAACCTGGGGATGCCATTG  
TCGCACTTACCGAATTGGAGCTGCCTCCGTCATCAAGATATGCATTGTGAAATGAATCAAATAACAAGCAA  
ATTCGGCATCTGACTCCTTCATCCAGAAGTTGCTCAGGTGCATCCTTTATCTTTATATAACTTTGCAGTCTGGTC  
TCGATCTATGCTTTTGCTATTTATTATATAAATATAGTTATTTTTAGTATTTACCTAAAGAGGGTTGAACTAGT  
AATTTTGATTTTCTTGTTGTGAAAGAGGGGTGGATATCCCCTTGAAATTTTTTTGGACTGCTATTGTGTGACC  
TTAAAAAGTAGGGGAAGTAAGAATTTGAAACAATCAACTTTCATAAACTTTTGTCTTGAAATTCCCAAAATTT  
TGTGCCCTAATTTTTGTTTTTTGTAGAACTCAAAATCCATTGTGTACTCTCATCATGTGACAATCTGAAACA  
GATCCTTTGGATGGATTTTGTATATGAGTTTTATTCATAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1224 BT010629|Arabidopsis thaliana At5g51960 gene, complete cds

TTACTATTTCTCTTCCCTTAAACGACAATTATCCATTTTCTACCCGACATCAATTTTGCTCTTCTCCGGCGG  
CGCGACACTCACCCACCTGCGTCGACGGGTGAGCGACCTTCTGTGCTCTGCGTGATTAATCTGTTTGGATAG  
CATCAATGGTCTTTAATTGGGAAAGAAAAAGAAGAGAGGGTGGGGAGGTTCTTCGACCGGGTTGACAGC  
ATCCGACGGAGTTTAGCCATCAGCATTCTCCGGAACCTTGAGTTTGTTCAGTCCCAGCTGAGTTTCCCTA  
GATGTGTGAATCGCTAGTCTAGTTGCTTTTCTGTAGAAGTTGCAGAAGCTTTTCAAAGCAGGCACCATTTAA  
GCACATAGAAATTGTTGAGTTTTTGAGTGACAAGAAGAGGCCCTTGAAGACTTGGGGGTTTGAAAATGAATT  
CAGAAGCCTTGCAGGTAGCTAAGGCCTATCGCCAGCTTCTCAAAGCTGTAAAGAAACATATTGGAAAGGAAG  
AGAGCAAGAAGCATTTTGTGGACTATGTGGCTCAAAGTTCAGGGATAAATCCATACTTCAAACCCCACTC  
TGTTCAACAGGAAATCAAGCTTGCTCGGGATTACACATTTCTACTTAACAGTGTGCACCATCAAAGGACTTGC  
TGTTCTCGTACAACATTGCTGTTGATCGTTCAGATGAAATGAAGCGAATATTGGGGAAAGTCTGCAGCAAGTGT  
GGGGCTTTCACCTCCTGAGGTTTATCAACCCTGATGCCCTGTGGTTGTTTGATTAAGAAGAAGCATTTTTTTCC  
CCTATCAAAGAAGAATAAGCACTTCGATGAGCTGCCAATTGCCAGCAGACTTACATATTGTTGATTTCTTCTA  
CCTTTTGATGCATCAATTCTATGCGCATGGAAAGAAATGAAGGCTTACTGGACACTTTTATCAAATGGTGAGAT  
ATTTCTTTTATTAGTACTCCCGAGGGTGAATCGAAGCATTCTGGGTGTGATGTTTGTTCATTCCAATTAATA  
TAACTTTAATAACGTGAAAAGGAGCTGCTGAGTTTTGATGGAAAGCACTTTTACTTCACTTTATTACCATTGT  
CCAGAAATAAATGTTACATCTTGAAAGGCATTGAGTATCAGTATGGAGGTTTTTAAATATC

>trans\_c\_1225 NM\_129811|Arabidopsis thaliana PP2A-4; hydrolase/ protein serine/threonine  
phosphatase (PP2A-4) mRNA, complete cds

TCCGAAACTTTGACCGTGTTCAAGAGGTTCCCCACGAAGGCCCAATGTGTGACCTATTATGGTCTGATCCAGAT  
GACCGATGTGGCTGGGGGATTTACCTCGGGGTGCTGGGTATACATTTGGCCAGGACATATCTGAACAATTCA  
ATCACATGAATAATTTAAAGTTGATAGCTAGAGCTCATCAACTTGTGATGGATGGATTTAACTGGGCTCATGAA  
CAAAAGGTGGTTACTATTTTTAGTGCGCCGAACATTGTTATCGCTGTGGGAACATGGCTTCAATTTTAGAGGT  
TGACGACTGCAGGAGTCATACATTTATCCAGTTTGAGCCAGCACCCAGAAGAGGAGAACCTGACGTCACCCG  
GAGAACACCAGATTACTTCTTATGAAGCAGCTAAGTCGAATCCTTCCCCTGTATACCGTAATGGGTTGTGTGGT  
TGTTGTAGGCGAAGAGAACCCTGTGACATATGCTGCCATGCGTTGATGATTTTGCCTGCGAGCGAGACAAGA  
ACTTTTTATATAGAAAACCCTCTGATTTGTATTTGAAGATCAAGACATCCTCGAGATTCAAAGATACTCAACTTT  
CTTCTTCAACCACTTCGGCTCATTTCTCCATAATATGAATATCTCAAGTAGTTTTAATATTGTTACAACACTTTCT  
CTATTGTAGAAAATTATTATAGTGCTGGTGTGTTAATCATGTACTAGGTGTAAGTTAGTTTCTGTTATGTTTT  
TTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAAAAAGGCTGTTAAAGTTAGTGGAATTGCTACATTTTATTTTTAAG  
AAAATTTTAGTATGATGCATAATTTTGAGGAATGTGGCTGTGAGAATTTTTAAAGGAACTAAACAGCCCTTTC

ACTACCATTAGGCCAAGCTGGGTTTGATTTTAATTTCCGTTTCAGTCCGGGGATTTTGTGAAATTTAAATCCTAC  
ACTTTGGACCAGTGGAGCAAATAATTATTATTGCTATGTTTTGTTTGAAATTTATAATTACGGATGGACGT  
CTCTGTAACCAACCTAATTTCTTGATTTGAACATTTGTTGCTGAGATTTTCAATCTTTGAAATAGCCTTATACT  
TTGGCTAATTTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1226 AY775334|Capsicum annuum RING-finger protein (RFP1) mRNA, complete cds

CTCCACTGTTTTGCTTCAAATCCGCCATTGAAACCCACCTCTTCAACCCCTCCAACCATTTTATTCTCTTTCAAGA  
TGCTTCTATTTCCATCTTCTCCCGCTGAGACATTTTCGTCCTTCAATTCCTACACGCGTCTGCAGTATTTAATTAG  
GAGGTGTATACTTTTCTTTTCTTTAGACTTCTTTGTTCTGCTTGATGGGGGCCAAAAGTTCAAAGGAGGCCTC  
GCCGTATCGTTCAACTTCTTCTCCTCATGGGGTGGTGGTGGGTATGCTCAATCGTCATATGGACATGAGACCC  
CAAGTTATGTGCCTCAGCAATCCTATCCTTCTCAGCAGTATTATACATCCTCTCAAGAGTGCTATGGGAATGTT  
GATAATGGCAGGAGGTTGGATAGAAAATACTCGAGGATTGCTGATAATTACAATCTTTAGAAGAGGTAACA  
GAAGCTCTTGCGCGTGTCTGGCCTCGAGTCTTCCAATCTTATTGTTGGCATTGATTTACCAAGAGCAATGAGTG  
GACAGGCGCAAGGTCGTTTAATAGACGAAGTCTACATCACATTGGAGACCAGCCAAATCCTTATCAACAGGCA  
ATATCAATTATTGGAAAGACATTAGCTGCTTTTGATGACGACAACTTAATTCCCTGCTTTGGGTTTGGAGATGC  
GTCAACTCACGATCAAGACGTCTTCAGTTTCTTCCAGAAAGAGGAGAGGTTTTGCAATGGATTGAAGAAGTA  
TTAAGTCGTTATCAAGAAATTGCCCCACATCTACGACTTGCAAGTCCAACCTTCATTGACCTGTTATTGAAATG  
GCCATGACCATTGTGAGCAGAGTGGTGGCCAGTACCATGTTTTGCTAATAATTGCAGATGGACAGGTGACTA  
GAAGTGTAGATACAGAACGTGGGAGGCTTAGTCCTCAGGAACAGAAGACTGTTGATGCCATTGTTGAAGCAA  
GCAAGTTCCTCTCTCGATTGTTTTAGTTGGAGTTGGAGATGGCCCCTGGGATACGATGAGAGAATTCGATGA  
TAATATTCCATCGCGTGCATTTGATACTTTCAGTTTGTAATTTACGGAAATTATGTCAAAGAATATACCCTC  
ATCTCGGAAAGAAACCGAGTTTGCTCTTGCAGCATTAAATGGAGATTCCTTCCCAGT

>trans\_c\_1227 NM\_112733|Arabidopsis thaliana AtCASP (Arabidopsis thaliana CCAAT-displacement protein alternatively spliced product) (AtCASP) mRNA, complete cds

ATGGTGCTGTAGTTTTAGTTCATCAGTAGGTGGAAGGAAATTATTTTTCTCATATCATTTAGTGCGATTCTTAT  
GTCATTTTCTTTTCAGGTTAACTTTCAGAAAAATCATCTTTGCTGGATACAGCTGAAAGCAAGATAGCTGAAC  
TCACAGAGAAGGTTGTTGAACAACAGAAGTTATCCAGAAGTTGGAAGAAGACATTTTAAAGGGTTACAACCTC  
CAAGGACCAAAAAGGCAGTTTATTTGATGAATGGGATCTTCTGAGGCAAGGGGTGAGCTTCTGAGAATGT  
AGATCGAAAACATTTCCCATTTGGATCAAGATCAAGCTCAATGCTAAAAGTAATTTGTAGTCAGAGGGACCGT  
TTTAGAGCTCGCTTGCGAGAGGCAGAAGAGGAAATAAGACAATTGAAGGAGAAGATAGGACAACCTTACAGT  
TGATCTAGAAAAGACAAAAGCTGATAACGTCAAATTGTATGGAAAGATACGTTATGTCCAGGATTACAACCTT  
GAAAAAGTAGTGTCCAGGGGATCAAAGAAGCATGCAGAGGATCTCGAAAGTGGTTCAATGTCCGATGTTGAA  
TCTAAGTATAAAAAATATACGAGGATGATATAAACCCATTTGCTGCGTTCTCCAGAAAGGAAAAGGATCAGA  
GGTACAAAGAGTTGGGCTTCAGAGACCGGATCACACTCAGCAGTGGGCGATTCTTTTGGGGAACAAATATG  
CCAGAGCTTTTGCACTCTTCTACACAATCGGGTTGCATATTTGGTATTTACATGTCTTTACAGGATGTCAGCAC  
TGAGCCATCTAAGTAATGGTCCTGAGGAATTTCTTGTTGGAGATAAACATGTAAACCTCCACACGCACCTTTAA  
TCTCCTGAATTTTGGTTTTATCAAAGTTACTGATAAGGTCAGGGATACAAATCAACTTTTCATTACAGAATGTA  
TATGAATAATTCATAACGTAAAAAAGAAAAAATCTTCTTTTATTACTGTATAAATGCCCATCGAATGTA  
GTACTGGCTCTTTTTTCTTCCCTTCTGTTTCAAGCGATCTTATTTTTTGGTAAAAAGTTGTTCATACAGTCTA  
TTTTTATTTCAATTGATCAAATTTTGATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1228 Novel Gene

TGGAACCAACGCTTGAAGAAAAAAACCATTTTAGTACCTTTGATTCATACCAACACATCACTAGCTAT  
CTACTTAAGAAAAAGAATGTCAACCTTTTGTGGAGCTCAAACTTTGGAGGAGGAAGCCATCCTTTGGATAGT  
GAAGAATACATCAAAAAAGGGAATCTATTGAAATGGAAGATCCCAAAATCCCAACAACCAAAATTTACA  
AATCAAACCCATTCACTTTCTTCTCTGATCCATTGATCAAAACCAAAGAAGAAACAATGCCTTGTGAAAATGGA  
AGCCAAGCTTTAGATTAATATATGACAATCCCATCTTGGCTAGTTTTCAGGAGAAGAGATTCTGCACCATGTT  
GAATATGGGGATGATCCAAATTGGGGTCAAGACTTTGACCACAAAAATACCCTCAAATGCTTCAATTATTCTAT  
GTGTTTTTGACACTAGAAATGACAATTTTGAAGATTCAATTTTGGGGTGGTTGAAGCAAAGCTAAGTGATGG  
GCCTATGTTTTTCAACATATTTCCAAACATTACAATGTCTTTGTTTCACCTAAGTTGTGCGAGTCTTTGGTTTTG  
ATTGCCATGGTTCAAGGTTTTGAGCAGCTTCTCAAGGGACAAGTCCAATTAGTTTAATGTGGAGGACATGTT  
ATAAGCTACAAGGCAGTGCTTTTCTACTGCTTTGATTGAAAGTCCACAAGGTAAACTGTGTTTTTCCAGACA  
GATTTTGAGAACTCCAAGGTTGCGGTTCAAAGGTCTCTGAATGGGACGAAGTTGTTTGCAAAGTTAGGAATA  
ATATAATGAAGCACTAATAATGTTATATTGTTAAATATAATATAATGGAAGCATTAACTATTATTTTGATCAA  
ATTTAGGAAGAGGATGTGTGATAAGATATATATTCATTTGGTTTGAAGTACTTTTGTGTTGGTGAAGTATGTGT  
GAAGTATGAAGTACGTAATGTATAATTTTGCCTTTTGTATGCTTTTATTGCCTAAATAATGTTGTAGCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAGGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTAAAAACCCCCCACCCCGGGGGGGGCC

>trans\_c\_1229 NM\_001084291|Arabidopsis thaliana translation release factor (AT1G62850) mRNA,  
complete cds

ATCGTCTTCCCCAACCTGAAGTTGTCGTAGCAAAAATAATGGCGGTCATTAGAACCACCTCAAACATAATCCTC  
AGAGAAATCCTTCATTCCCAACCTATTTTTCTCTATCACCACCCTCAATCTTCCCTAAACCTTTGCACAATCCCA  
ATGCCACTTTGCCATTCCGGCTTCGTGACATCAGTTTCGGTCGTGTCCTATGCGCCGCTTCGGACTCGCCCGGT  
ACGGGTGGCAAGGTGTCTTCCCGGCTGTCGCAGATGCAACAACCTGTTGCTAGAGGCGGAGGAGCGCGCTCTA  
TCGGCTGACTCCGAACCCGCCCCCAAAATCACTCTCGACCATGTCATTGTGAATTTTGAAGAAGTGGTGGCCC  
TGGAGGTCAGAATGTCAACAAAGTGAACACAAAGGTTGACATGCGCTTCAATGTTAAAGAGGCGTATTGGCT  
AAGCGATAGAATCAGAGAAAAGATTCTGCAACGGAGAAAAATCGGATCAACAAGGATGGAGAAGTTGTAA  
TTTCGTCTACAAAACCTAGAACACAGAAGGGTAATATTGAAGATGCCTTGGAGAACTTCAGGCTATAATCGA  
TGCTGCTTCTTATGTCCCGCCACCTCCCTCAGAAGAGCAAAAGAAGAAAATTGCTAAGCTGGCGGCTATTGGG  
GAACAAAAACGCCTAAAAAGCAAGAAGGTCCATTCTGATAAGAAGGCATTTGAAGGAGTAGAAACAGTTGG  
GATTAATAACCATCTTGCCAACCTACTTTGCAGCTTACTCTTCAACCCAGGAAAAATAATATAAGATCAAAAAGT  
AATACTATCATCATTCTCTGGTGATTTGCTTCTTCACGGGTGATTTCTGGAAGTTTGCTAGAAATGGATATAG  
GACAACAGATTTTCTTCACTAGATTGGCGCATGATATATTTGAAGCACCAGCTTAGATTAAATTTTATAGGACC  
TCTTTTCGGACGCGACTTGTGAGAACATCGACTGACACACAGTATCTCGTTTCTTTGATGTATGTCAAATAAT  
ATCAATTCAGTTATAGTTTCTATTTATTCGCTTTGTTGATGCCATGCTCATGCCAAAGTTGGTCCATTTCCATTAC  
CTATGATACGAAATAAAGTAATTTTACCGAAAAA

>trans\_c\_1230 AY057714|Arabidopsis thaliana AT5g42660/MJB21\_3 mRNA, complete cds

TTGGCTTGCTTTTGTGAGGCAACAAAAATTGGTCACAATTCAAGGCTGGAGACGAAATCGGAGTTTGCTGC  
CACAACGACGCCAAAGTTAGACGATTGAAACTGTCAAGGAGTCGGGGTTGGACAAAAACCAGA  
TGGAATTTGAATAGACTCGATCCAGTTACTAGGATGGTTAACGGAGTAAGAGAACGTTGCTTGAAAATTCTG  
CCTCCGAAAGAACTTGAGCAATTGGATATTCCTGTGCTAGAAGGTTCCGCCAGTTCCCGAGATTGATGTGAAC  
ACATATCTGATAGTGACAATTCGTTGTGCTAGATAAACTTCCTTCTCACGACAAAGTATGAATTCAACAAGA  
TTAATCTATTTACTGGATACCAGACTCTCGAGCAAAGAGAAAACAGTTATAAGGTAATAGAAGTGTGAGG  
TACATTGCGGTTTTTACAGCGATGATNGGGGGTTTTAAATTTCTAATGAAGACAAACTTTCATGCGAACAT

GCACCTTTGTGGTGTGACATGTGCATTTGGTGGTTGGAGATGATCTTTATCAACCTATTGGAATGTCAGAGG  
CCTCACTTCGCAAGGTTTGTCTATGTTGCGTTTTGGGATGAAGTCACTTTAAGTGTTCAAGAATCAGCGGGACG  
TGTTATTGGTGAGGGTGGATTTATTGGGAAATGGCGTGTTGTAGTTGTGAGGGATCTTCCCTTCGCTGATCAA  
AGATTGAATGGCAAATTCGAAGATGTTGGGTCATCGTCTCTCCCTAATGTGAAGTACTCCATTTGGGTAG  
ATTCAAAGTCTCAGTTCGGGAGAGATCCACTAGGAGTGTTTGAAGCTCTTCTTTGGCGTTCAAATTCTGAACTT  
GCAATATCACAACATGGAGCTCGTAGTAGTGTCTACGATGAGGCCGGAGCTGTGGTCAAGAAACATAAAGCC  
ACCCGAGAAGAAGTTGATGTGCAGATAAAACAATACCGTCATGATCAGTTCAGATGACAAGAGATTTAATG  
GCCATAAAGCCCTTGAGAGGCGTCTGTGATTGTTAGGGAGCACTCTCCGGTGGTGAATCTGTTTCATGTGCCT  
GTGGGTTAATGAGGTGGTGCATTTACTTCCAGAGATCAACTTAGCTTTCCATACGTCCTATGGCGGCT

>trans\_c\_1231 NM\_001073487 | Oryza sativa Japonica Group Os12g0541400 (Os12g0541400)  
mRNA, partial cds

ACAGTTTCACCCACGAGGAAGAGAGTGAGCAAAGTGGTGAGTGAAGCGTGGCGTTGGGTTTTGTTTTGGTT  
CAAAATTCAAATCTTCGACAACTCTGTCCCATCTTCTTATTTTTCTTCTTTTTTTTTCTTTTTTCTTTCT  
CTTCTCTCAAATCTTTGAATTTTGATTTGATTTACCCATTCCCATCTCAACCCTAATTCCTAATTCTTCAGATT  
CTGATTTTCCCATTTTCATTTTTCGATCCCTGCTTCTATGGCGGACTCCGACTCTTCCACTCCTTCCCCTGCTCCT  
CTATCAGCAAAAAAGGAGAATCTAACCCCATTTGGCTCCAAATACGGAATTGAACGAATCAAGATCAGAGC  
TGCTTAATAGAATTCAATCTCTTAAGCAGGATCTCCAGAACTGGAGGTCAAACTAGACACGCAAGTTAATAC  
CTACCGCAGTGAATCTCCGAACTCAAGAAATCGCTTAATGTTGAAGTAGAGCACCTTCGCACGGAATTCCAA  
GAACTAAGGACAACCCTCCAGCAGCAACAAGAAGATGTGACTACTAGCCTGAGGAACTTGGGTCTTCAGGAT  
GTTTCTGTGGACACTAATGAGACACAACATCAACATCCAGCGGGAAGCCGCGACAAGGAAGATGCAGACGAG  
GCTAAGAAGGATGGCTTAACAGAGGAGAAAGGTAATGAAGCTGAGAATTAAGTGGCAGTTTTAGCATCGTAC  
GTTCTAAGCGTTTCATTGCATGGTAAGAGAATCTTTCAGTTTTCTTAGGCGATGGATTTCCACATTTTCTAT  
TTTGTCATGCTCTATTTAAATTCGATCTTTGTAACGATAGGGTTCTTTTCAATATTTCCCATTTGAGGTGTTCTAT  
GATATCTCCACCCTTTAGAGCTGATGATCCGTCTCTCTGGCTATGTCTCTTTCTCTATTTAACTATGGAGTTTATG  
TTGGAAATTTTTCAGTACTTCATAGCATTGATTCGGTGAAGAATGACGTGTTGCTTGGTTCTATATTTCTCTGG  
GCTATAACGAATTGTGGGGAAGTAGGTAAGTCTTGTAAAGGCTCACTTTTGACAATAATTGGTTCATGATTTT  
GGTTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1232 NM\_001060245 | Oryza sativa Japonica Group Os04g0591000 (Os04g0591000)  
mRNA, complete cds

ACTTCGAAATCGAACTATGGCGACGCTCGAATCCGCACTTCCAATAATCTCTCCATATGTTTCTTCTTCTCT  
CCTCAAAATTATGCTTCAATAAACTTCCCTCCGCCATTAAGCTTCGAATTTCTTCTCTCTCCCTCTCCTTTCCCTC  
AATCCCCCAACCCCATTTCCCCTATCTTTCAATTCATCGCGAAATCCCGCGGCGGAGGCCGACTATGTTCT  
GCAGTGCAAGAGGTCAGTTTGGAGGAAGCTTCAGAGGAACTCAGGATGTGAATCAGAAGAAAAAATTATAT  
ATCTTCAATCTACCTTGGTCTTTATCTGTTGTTGACATTAAGGAGCTCTTTGGACAATGCGGCACTGTCTCTGAT  
GTTGAGATTATAAAGCAGAAAAATGGAAGAAGCAGGGGATTTGCCTTTGTGACTATGGCTTCACCAGATGAA  
GCTCAAGCTGCTATTCAGAAATTTGACTCTCAAGAAATATCAGGAAGAGTTATAAAGGTAGAGTTTGCAAAGA  
GATTTAAGAGACCTCTCCACCAAAGCCTCCAGGTCCTCCTCTGGAGAGACAGAGAATAAACTTTATGTATCA  
AATCTTGCATGGAAAGTGAGATCAAGCAATCTTAGAGACTTCTTTTCTGAAAGCTTTAACCCAATTGCAGCGA  
GGGTTGTCTTCGATAGCCCTCTGGAAGATCTGCTGGTTATGGTTTTGTTTCTTTGCTACTCGAGAGGAAGCT  
CAAACTGCACTTTCTTCTTTGGAGGGCAAGGAATTGATGGGAAGACCCCTTCGCCTGAAATTCAGTGAAAGAA  
GTGTCAATGAATCAGAAACCCCAAAAGAAGACATTGTTGAAAGCCAACCTGAAGAATCATAGACCCACTCAGT  
TTCAACATCAGAATCATCCCTTGGTAGAAAATCTGAAACCAAGATTTTGCTTGAGAATTCCAAGTCCCCCTTG



>trans\_c\_1233 NM\_122437|Arabidopsis thaliana serine-rich protein-related (AT5G25280) mRNA, complete cds

>trans c 1234 BT005872|Arabidopsis thaliana At5g22340 gene, complete cds

>trans c 1235 XM 002873989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata YGGT family protein, mRNA

GATCAGAATTTCCCGTAGCTTCGAAATCACAGCGGGGCTTTCGTCAGAGAGAGAGAGAGCTCTGCTGTTTCGT  
TCTCCGTCTCTCTTCAATCCATTATCCTCTTCGTCTTCCTCAGCTGCCTCTCTCAGACACGCCGAGCAAAGCAA

GATGACTCCTCACGAGTCGTCACCTTCAAAACCCTAAACGAACTTCTACAGCTTTCAACTTCTTTCCAAATTGCAT  
TTCCTCCTTCTCACCCGCATTTTCTCAAACACCTTCTGGACCATCCAGACGAAGGCAACCCGAATTCGCCTCTCC  
ATGTAATTTTCTTCGCGACCTCCATGAATCTTTCGCCTCAACTACTGAAAGCTGTATTAGACTCTTTCACTCATTC  
GCTTCTGAGAATCCATTTCTGCATAAATTGCTCTCGTTGCCTTCTGAGTTCCAGAGTTTTCGTTTCAGATCCAC  
AGTATGAACTCCAGGAATTTTCGAGCTCTCTCTAGTCATAATTTTGCTGCAGTTTTGCCGGGGGATTCTATGGC  
AGGACTTGTAGTTGCAAATGGCATTGAGAATTTCTTGAGCCTTTACAATACACTCTTGGTCGTCAGGCTGGTTT  
TGACTTGGTTTCCGAATACGCCCTCCCGCCATTGTTAGTCCACTAAGCACGTTATGCGACCCATATTTGAACATAT  
TTCGTGGGATTATTCCACCACTTGGAGGGACACTTGATTTATCTCCAATATTGGCATTCTTGGTCTTAAACGCCT  
TTACCAGCACTGCCGCTGCACTTCCTGCTGAACTTCCAGCCCCAAATTCGTCTCTTGCCAATCCTAATCCTTTAG  
AAGGCTCTGTTGATCTTACATCATCAGAAAAGAAATGGATGAGAAGGCTGCAGGGAAAGTGGAAGAACAATG  
CTGATGCTGATCAATAGCCTATAATTCAGGTTTGTATGCGTTGATTGAGCTCAATTTATTTGAAATTATGACTCT  
TTCATCCTTGATTCTGTCTATTGTAAAGTGCGGTTGATCGGATTATTACTTTGAGTTTGTGACAATTTTCTTGAT  
TGTGTACACTGGAAATCTGTAGTTCAGTCAAATTGGTTAGATCACTTTCTCCATCTCAATCAAGACATGTAAA  
TTTTATATTTAATAGATTTTCAAACATTTGTCTCGAAAAA

>trans\_c\_1236 NM\_001065537|Oryza sativa Japonica Group Os07g0173100 (Os07g0173100)  
mRNA, complete cds

ACTAAGCGATTCTTCTCCTTTGGTGTTTGCTCTCACGGCTCTTCTTCATCCTCTCCCTCCAATCAATAATGCCT  
TTCTCCGATTCAATTTCTTAATTCTCTCAAATCCCTCATTCAATTAATTTCCCTTTTCAGTCTCCATTTTCGAAGAT  
TAGGGTTCTCATCCGATTCTGTTTCTGTTTGTGTTTCTTTGTTTGTGTTACACAAACCAATTCCTTTGATTCTT  
TTATGATTTCCATTTCCGTCCTCTGAATTCCAATCCCATCAAGATTCAATTCCTTTTGAAATTCGTCCATCGTT  
TTTCACTAGAGCATCTTCGTTTTCCCTATTGATTGGGTTCTAACCCTTGTTTTGTTGTTGTTGTTGTTGGTGT  
TCTCCCGCCCCTTCAAATCTATTGCAACTTTGAAGAACGAGTTCGAAATCAACTCCACCACCGTCATGAAGGT  
CCACCCATTGCCGAGGAAGCGCAATATCGCCGTTCCGAATAACCCCACTTCGAGAACTCTCTTGAAGATCAA  
TCCCCTTTGAACAATCACAAGAACTCAGGCGGTTACCACATATCTTCAGTCGCGTCCTTGAACCTCCGTTTCG  
ATCTGATGCGGATGTTTTGGTAGAGGAAAATACAGATTGTTCCGATTCAATTGCTGTAACTGATGGTAACATTA  
GCGATGGAGTTAGAGCTCATGCTGTGGAAATCCATCCTGGGGTTATTAAGATCGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTT  
GTTGGAAATGGCAATAGATGAACTTGAATTGGATATGTGGAGGTTTCGACTACCGGAGACGACACGACCGGA  
GCTTGCAAGTGCGGCGTTTGTGATGGAGAGCTTATTGTCACTGTTCCAAAAGGGAATGATGAAGAGAATTCT  
GATGATGGTGGAGGAGATATCTTCAGAGATGAAATGGAAGGTGCACTTGTTCTGTACAGTAAATTGAATCCT  
TTCTCTCTTTTTCTTTTTGGTTTTGTACTAACTGTTGGAAATTCGTTGTTTCATCATTATATAATGTTGTTCCAG  
ATTTCTATTAGTTTCCCATTTGTTGAATTCGTTGATCCATTAGTTTAAAAGAACTTAGAAAGAAAAACAAAATC  
GCTTTTTATCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1237 NM\_001057688|Oryza sativa Japonica Group Os03g0729200 (Os03g0729200)  
mRNA, complete cds

AGGTTCTCTTTCAACCTCTAATCTAAGAAGAAGAACAACAACAAGAAGTAAAGAAACAAGAAAATTCTTG  
AGCTAAATTTTGTGGCTTACGATTCAATTTCAATTCATAGGGAAAGCTTCAGACTTCAGAGCAATGAATTCAAT  
TTCTACTCACATCCATTACCTTTTCGATCTTCTCTTCAATTTTCCCTCCTCTTTCACCTTCAACTCCCTTC  
CCAATTTCCCTCTCATCCGTTTCTCAATCCTATTTCTCCAATTGCATCCTCAATTCTGCAAGATTACGGACCCCT  
AATCCCCATGTTTCATCGCAATTACAGGTCGTCTCAAGTTCTCAAGGCTTCCACTTCTTCTGGGTATGCCCCAGA  
GATTGGGGAAATTCTCGGGGATGTTGATTTTCACTGCTGGTGGTGAACCAGTTCTGTTCAAGGATCTTTGG  
GATCAGACTGAGGGAATGGCAGTTGTTGCACTTTTGAGACATTTTGATGCTTTTGCTGTTGGGAATTTGCTTC  
CACTCTGAAAGAAGCCAAAGAAAGATTGATTCATCTGGTGTTAACTAATAGCTGTAGGCATCGGTACTCCA

AATAAAGCACGTATCCTAGCCGAGCGGTTGCCTTTTCCAATGGACTGCCTTTATGCTGATCCTGATAGAAAGG  
CATACGATTTACTAGGTCTATACTATGGCTTTGGTCGTACATTCCTTAATCCAGCTAGTGTC AAGGTGTTTTCCA  
AGACGAGATTTGACGTTATGCGAGAAGCCATGAAAACTATACTCTCGAAGCTACCCCGGACGATAAAAGCA  
GCGTGTTGCAGCAGGGAGGTATGTTTGTTCCTCAAAGGCAAGCAACTGTTGTATGCTCGAAAAGATGAAGGTA  
CCGGCGACCACGCTCCCTTAGATGATATCTACAACATCTGCTGTCAAGTCCCTGCAACCTGAAGCAACTCACT  
ATTGTATGCTCAAAAGGTTGAAGGTATCGGTGACCACACTTCGACGTCTATTGTTGAGTCATAACATGAATAAT  
CTTCACTCATTGTTCTTAGATATTTTGATTGGTATGTATCGTTTCTTATAGGGTGATTAATGTTATAACTCTTGTT  
ATTAATTTTTTACGAATATGTCTTATGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1238 NM\_001061953|Oryza sativa Japonica Group Os05g0386000 (Os05g0386000)  
mRNA, complete cds

ATTGCTCCTTGACTTTTGTTCCTCGACCTCCTTCTGGATTCTGGGTTTCTTCGTTTTTAAATTCTGTGAAATGAA  
AAGAAGCTGCTGAAGTTGAGAAATTGAAACCAATGATGGGGAGGAAGACTTCACCAGTTTTTCTGGTGCTTTT  
GGCTCTGGGTTTCTTTTGCTTCTTATAATTTGATCACCATGTCTGTACACTACAAAGCCTCGAAGGGAGTTG  
GTTAGCAGATGGGTTTGATTGTTTGATCCCATTATTCGAGTGCCTGGTAGAGCAGAACGAGCAGGGAAAAC  
CAATTCGAAATACCATGTTGCTGTCACTGCAACTGGTGCTCCTTATAGTCAATGGCAGTGCAGGATCATGTATT  
ACTGGTATAAGAAAGTGAAGGATTGCTGCTGGCTCTGACATGGGAAGCTTCACTAGAGTTTTGCATTAGGAAC  
TCCAGATAATTTAATGAAAGAGATTCCAACTTTTATTGTTGATCCTTTGCCAGAAGGATTGGATCGGGGTTATA  
TTGTTCTAAACCGACCGTGGGCTTTTGTCATGGCTGGAGAAAGCAAACATTGAAGAAGAGTATATACTAAT  
GGCAGAACCCGATCATATATTTGTTAAGCCGTTACCAAACCTAGCCACGGAAAGAATCCAGCTGGATTTCCG  
TTCTTCTACATAAAGCCAGCTGAACATGAGAAGATCATCAGGAAATTCTATCCTGAGGAGAAAGGTCCAGTGA  
CCAACATTGATCCCATTGGAAATTCTCCTGTTATCATTGAAAAGACATTGCTGGAGGAGATTGCACCAACGTG  
GGTGAACATATCCTTGAGAATGAAAGATGACCCAACTACTGATAAAACATTGCGTTGGGTGCTCGAGATGTAT  
GCTTATGCTGTAGCTTCTGCATTGCATGGTGTGCGGCATACGCTCCGCAAAGATTTTATGCTGCAGCCTCCTTG  
GGATTTAGAAGTTGGTAGGAACTTCATCATCCACTATACCTATGGATGTGACTACACTATGAAGGGAGAACTA  
ACATATGGTAAGATCGGAGTGGCGCTTCGACAAAAGATCATATCTCAATGGTCTCCACCAAGAAATCTTTCCT  
TACCTCCTCCCGGAGTTCCCGAAAGCGTAGTAAGGCTTGTAAGATGGTAAATGAGGCAA

>trans\_c\_1239 CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

ATTGCTGGGGAGTTTGAGGAAGTGAAGAATCGGAGATTGTTGAAGTGGGTAATGATGAGAATAGTTTGGA  
AGTCGAGGAATTGGAAATTCCGATAGAGAAAACCTCCGAGATTGTCGAGCTCTGTTATGAACTTCCACCGATTA  
ACGAATATGATGAAGAAGACTAATGGATTAATCAATCGGAATCCGACATGGACAAACGAAAAAGATGGTTTA  
GAGACACCAACTACTACTCCACTCTCCCAATCACTTCCACCGCGTCCGCCGTCGCTCACGGCGGCGACAGCAG  
GAAGTTTTCTGAATGCATACGAATACTACTGGAGATCAAAACCCACCGGAAAATCAGCCGGAATTCAAAACCC  
AAATGGCCAACAACAACTCAAATAACCCGTAACTAATTTCTTCAAACAATCAAATGACGGATGAGAAACAG  
CAAATTTTGGTTCTGAAAGGAAACAGAGGAGATTATTTGGTTCCATTATCGAATGGTTGTAAAGTTCCAAGAA  
GGTCTGTTCTTCTCCGGGAGCCGTGTTGCATTGCCACCACCTAAACCACCATCGACGTTACCGGAAAACCTCC  
ATATCAAATCTCCATACATATTAATTCTGAAAATTGTTAAATCTCTCAGCCATTTCTTTACTATTCACTCAAAAA  
AGCAATAACAGAGGGGCTATCGAAGAAGACGATAGAAAATTATTAGCAAAATTTTACAAATTAGAGAAATCA  
AAGTGGGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAATGACCCAAAAAAGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGAAGTGATATTGATTTTCAATTTTAAAGTTCGTGAGATGTCTCAAAGCTGAACAAAATCAT  
AGGCTGATCTTTGACCCATTGGACTGTCTTCTGTCTGTCCATACATTTTGATGGGTTTTTTTTTTCTTCCAAT  
AACTTTAAAAATAACTTTTTTTTTTCTTCCCTTTTTTTTTGCCTTTGGTTATCGATGATGAACCAATAGGGTTTA

ATTATGAGTCAAGTTTGTATCAATTGGTCTTCCATTTTTGCAACATCATAATCCAACACTGATTATGGGGTTGCT  
TTACTTTCTTATACTAAGGTTTTTCCTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1240 AJ309009|Nicotiana tabacum mRNA for thioredoxin peroxidase

AAGTGTGTGGAGGTGAAGGCTGTTAAGTTATCCAGCCAGCGCTTCTCTTCTCACTTCACTTATCCATTTCTCCG  
CCTTACTCTCACTTTGTGCTCTGCTTATCCCCCGTCATGGCTTGCTCCGCCGCATCCACCGCCCTCATCTCCTCC  
AATCCTTCTCCTTTCCCGCCAAGTCCAATCCTCCAATTGCTTCCGCCCTTCTCCGAACCCCTAGCTCTTCCCA  
AATCTTTCCTCGGTCTTCGCAAATCCTTCCAACCTTCCGCTCCTCGTTCCTTCTCCTCCTCCTCCTCCCGTGCA  
ACTCGTTCTAGACGGAGCTTTTCTGTCCGGGCTTCTAGTGAACCTTCCATTGGTTGGAAATGTAGCACCTGATTT  
TGAGGCAGAGGCAGTTTTTGTATCAGGAATTTATCAAGGTTAACTTTCTGAGTACATTGGGAAGAAATATGTG  
ATTCTATTTTTCTACCCATTGGACTTTACATTTGTTTGTCCACAGAAATTACTGCTTTTCACTGATCGGTATGAC  
GAATTTAAGCAGCTAAACACAGAGGTTTTGGGTGTTTCAATTGACAGTGTTTTCTACATCTTGCATGGGTCCA  
AACTGATAGAAAGTCTGGCGGCCCTTGGTGATCTTCAGTATCCATTGGTTTCTGATGTCACTAAATCAATTTCAA  
AATCTTATGGTGTGCTGATCCAGATCAGGGAATTGACTGAGAGGCCTTTTCATTATTGACAAGGAAGGAAT  
TATCCAACACTCCACAATAAACAATCTTGCTATTGGTCGGAGCGTTGACGAGACAAAGAGAACGCTCCAAGCC  
TTACAATATGTGCAGGAGAACCCCGACGAAGTCTGCCCTGCTGGATGGAAGCCCGGGGAGAAGTCGATGAA  
GCCAGACCCCAAGGTAGCAAAGAGTACTTTTCTGCCGTTGCTTAACATGTGTGAGATGGTCTGAACAAAGTC  
AGTGTCTGGTGCAAATGCATTGCCATTTTAGTTATTTAAATTTTGTCTTGCCGCTTGTGGAACAACTGGTGAA  
CGAGGCTTGGAGTTATTGTCATTGGATATAGAGTGACAATTTCTCATCTCTAGATTGAATGAAGCAGCAATA  
AATTGATAGGGCTTTTCGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1241 BT012142|Arabidopsis thaliana At3g18295 mRNA, complete cds

CACCTCCTTCTCCTCCTTCTCTCTCCCTTTTATTCTTTTCCGCCATTTTCATAATCAACCTCAAGCTTTTTCCAAC  
CCCAATTCCCTTTTTCATCTCCTAACTTGACTTACAACGTTCTTGAATTGAAAGGCTTCTCTATTTTTCATAGAA  
TCGCAGCATAGCAAGCTCCAAATCATCAATCAAGCTCGTGTCTATTCCGCCTGATAGATCAAAACCACTTCATA  
ACTTCTCTTTGCCGTGTCTCAAATGGGGTCTCAAAGATTCTCAAGTGTATGAAGGTTTCTTCTAACTCCAACC  
CTTCTACCCTTGATCATCCTTCTGTTTCATCGCCAATCGAAATCTTATCAATTTCTGTGCCAGACCCATTAATTCTAA  
GGCTATGAACTTCACCAAGGTTACTTCTCCGATGAACACGAATCATTCCAACAGAAACCAATCCACGATCGA  
AGCAGTTCTATTGAAATCATGCGAGAGAAGATCATGCTTGATATTAGGGAGGAATCGAAGAGACTTAAATTTT  
CAATTACTGATGAAGGGGGTGAGGATGAATCTGCTGCGGCTCGACCGTGAATTTGAGGACTCGTAGAGCAG  
CTTGTAAGGCTCCTCTAGATGAGAGGAATCTGGAATTGGGTTCTTCTTCAACCAAGGCTACAATGAAGAAGAA  
GAAGAAGAATCGCACTGCGTTAATTGTGTCGTTGTGCGAAAGAGGAGCTTGAAGAGGATTTTGCGGCGCTGGT  
TGGTACGCTACCGAGGAGGCCAAAGAAGAGGCCAAGAGCTGTACAAAAGCAAATGGATGCACTGTTTCCGG  
GGTTGGTACTGACTGAAATTACTCTAGATTATATAAAGTTGAAGATGTTCTGAAGCTTGAACGGTTCCATT  
TCTTTCTATGATTGCCATTTGCGACTTGGATGCACGTGAGAGCATGAAATCATTTTGTGTTGTGGTAACATAT  
TCCTCTGTTTCTGTTACAATAATGCCAAAACAGGATGTGTAATAATTAGCAAATAAACCGTTGAAGTAATTG  
TAAATTTTGTAGCCAAGTTTCTTGTTGTTCTGCTCACTGTACAACCTTTAACTATCTGAAATGCTATACAAT  
GCAAGGCATATTGGTTGTTGGGCAAGGTTAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1242 XM\_002889989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AATCCAATTGAATTGCAAGTCAATCAAGACGTTTCGTTTTCTGTTCCCTCTTCTGATCCGATCCAGTAAGATCCG  
GATTTCTTGGTCATGAGCTTTGAACATTCCGGAACCTCCCGTCGGTTACCGTCGCCGGGGAGCACCGGAGGCA  
AGGGAAATTTATCGTCGTCATCGGCGTCCGGAACGAGTAAGGAGAAGCAAAGGAGAAAGCAAGAGTGAGT  
AGGACGTCACTCATATTGTGGCACGCTCATCAGAATGATTCACTGCTGTTTCGTAAGCTTCTGGAGGAGGATC

AATCCCTTGTTTCATGCTAGAGATTACGACAGCCGCACTCCTCTTCATGTTGCTTCGCTTCATGGTTGGATCGAT  
GTTGCCAAGTGTTTGATTGAACACGGTGCTGACGTTAATGCCCCAAGATCGCTGGAAGAACACTCCACTAGCTG  
ATGCGGAAGGAGCTAAAAAGCATGGCATGATTGAGCTGTTAAATCGTATGGTGGCCTTTCTTATGGCCAAA  
ATGGAAGCCATTTTGAACCAAAGCCTGTTCTCCTCCTCTGCCAAATAAATGTGACTGGGAAATTGATCCTTCT  
GAACTGGATTTTTCAAACCTAGCTATCATTGGCAAGGGGTCCTTCGGGGAAATTTTGAAGGCCTATTGGCGCG  
GAACCCCGTAGCTGTCAAACGTATTCTTCCTTCACTTTTCAAGACGATAGACTTGTGATTCAGGACTTTTCGACAT  
GAGGTTAATCTGTTGGTGAAGCTACGCCACCCTAACATTGTCCAATTTCTTGGAGCTGTCACTGAAAAGAAAC  
CACTTATGTTAATCACTGAATACTTGAGAGGGGGTGATCTTCACCAGTACCTCAAGGACAAAGGTTGCTCAG  
TCCTGCAACAGCCATCAATTTTGAAGCTGGACATTGCCCCGGGAATGGCTTATCTCCACAACGAACCAAATGTTA  
TAATTCACCGTGATCTAAACCAAGGAACGTTCTTTAGTGAATTCTGGTGCGGACCATCTAAAGTTGGTGAT  
TTCGGTCTAAGCAAGCTCATCAAGGTTGAGAATTCACATGATGTTTATAAAATGACTGGCGAGACCGGGAGTT  
ACCGTTATATGGCTCCTGAAGTTTTTAAGCACAGAAATATGATAAGNAAGTGGGATGTTTTT

>trans\_c\_1243 XM\_002882480|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipase class 3 family protein, mRNA

AAGAAGCAATTCAGGTGGGATTTGCTATTGTGACTCGCCAGGAGTGAATCTGCAGGAACCTAAGAAAGAAG  
CATCGAATTCAGGGATGAATTATGGATGGGGATTCGTGACCTCAGTCGGAACACAGATTTGCTAGTTCTTGT  
TCATAATCTGTCGATAAAGTACCTTTATGCATGCAATCAATGGATCACAGCCAAAGCCGGCGCTATCTCTAC  
TTTTAGATGAGGCTAAATCTCTTGGTATTCCTTGGGTACTTGCCATAACAAACAAGTTTTCTGTAAGTGCGCAT  
CAACAGAAAGCAGTAATTGAAGCCGTTTTGCAAGCTTATCAAGCATCTCCATCCACTACTGGAATAATCAATC  
GAGTCCTTATGTTTTTATTCCTGGTGCTGCTACTGCTTCTTGTGACCAAGTGAATATTGGAGACTCGGATGT  
GAAAATGGCTGCTCAAAAGCTTTTTCTGCTCCTATCAATCTAGTTAGGAGGCCTTTTCAGAGGAAGGAGACT  
GTTCTACCAGTGGAGGGTGTCAACTCTCTGTGCTGCTTATTCATCGTGTGCTTCGTAGCCATGAGGAGACATC  
ATTCAGGAGCTGGCTAGAGAGAGGCTTTTCATGGAATTGGAATACGAACGTGGAATGTCCATGGATGCAAC  
TCGAGATGCAAAAGCCAAGGAAAATTCTTAACATCTGCAGCAGTTGGTGCTCCCTCGGCGCTGGCCTCGGC  
ATTGTTCTGGCAGTCGTTATGGGAGCAGCCTCTGCATTGAGAAAACCTTGATCCTTCATCTCACCATAATTTGT  
GAGTAGAATATTCTGGATGAAAGGAGATGAATAGTTCTGTTTATATAGTGGTTTATTTAATTAGTTAAGGTTCC  
TCTATTGATTACCATTACATACAATGCATTATTTGCTTTATATTCATGTAAAATTATATTAGCGAAGAAAATTGG  
ATTTCTCAGAAATTCGCAAGATTGAATATAATGTACAGATCAGCATTAGAAATTTAGCTCCCCCAATTCCTATT  
CTACTAGTTGTATTCTCAAAAACACCATCTTTGTAGAGTGTTTAGAGGAAGTTGGATTCTATTTTTTAAAAAGC  
AAAAGTTTGTTATTATTATTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1244 EU391593|Ricinus communis long-chain acyl-CoA synthetase 4 (LACS4) mRNA,  
complete cds

ATCGGGAGGCTTCTTAAAAAGATCGTTGTTTAACTTGCATACTCATATAAATATAATCAAATGCAGAAAGGG  
AAAAAGCATCAACAGGCAGCCCCACTTTTTGATAAAGTTGTCTTTGACAAGGTGAAGAAGGGATTAGGAGGA  
AACGTGCGAATCATTTTATCTGGAGGAGCTCCTCTTGCAGCACATATCGAGACTTTCTTTGAGTTGTATCATG  
TGCTCATGTTCTACAAGGATATGGTTTGACAGAACTTGTTGGGGGAACATTTGTCACTCTACCAGATGAATTG  
CCAATGTTGGGAACAGTAGGTCTCCAGTTCCAATGTGGATATCTGTCTTGAATCAGTACCTGAGATGGGGT  
ATGATTCGCATGCTAGCACGCCTCGTGGGGAAAGTGTGCATCAAGGGAGATACATTGTTTTAGGGTACTACAA  
ACGCGACGATCTTACCACAGAGGTGTTGGTTGATGGCTGGTTTCATACAGGGGATGTTGGCGAATGGCAGCC  
GGATGGAAGCTTGAAAATTATTGACCGTAAGAAGAACATCTTCAAACCTTCCCAAGGTGAATATGTTGCAGTG  
GAAAATCTAGAGCTGATTTATGGCCTTGTTTCCGACATCGAAATGATATGGATATATGGAAATAGCTTTGAGT  
CCTTCCTCGTTGCGGTTGTTAACCTAAAAAGCAAGCACTTGAGCAATGGGCAGAAGAAAATGGCATAAAG  
AGGACTTCAATGCTCTTTGTGAAGACAAAAGGGCAAAAGACTATATACTTGGACAACATATCAAAGATTGCCAA

AGAACAAAAGTTAAAAGGTTACGAAAATATTAGAGCGGATCATCTCGACCCCCTTCCATTTGATATAGAACGT  
GACCTTCTGACTCCATCATTTAAGAAGAAGAGACCACAACCTGCTCAAATACTATCAGAAAGAGATCGATGACA  
TGTACAAGAGTGGGAACAAGCCAATTGCCTGAGGAAGGAAGAAGAGGATTGAAGATTGACAAAGGATGTAA  
AGCTTCATATTTATATATGTTGCGTTATTTGTAATTCATTGAATTGAATTTTTTTTTTTTAAATGTAACATTAAAA  
AACAACAACCACAATAATAAAGACTATTGGAAGGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1245 NM\_001053361|Oryza sativa Japonica Group Os02g0469200 (Os02g0469200)  
mRNA, complete cds

ATGGTAAATCACTTTTGTGGGATATGAGGAAGCCAATCAAAGCTGCTCTATCTGCGACTGCAGAACATCTTTCC  
GGTCTGCTCCCTCTCCATCTTGATACAGTCCATCCCATGATACAGCAGTTGAGGATTGGATATGGTCAGTAGG  
CTGCAATCCATTTTCCATTACTTCCCGTGGATGGTATGTTTCACAGTTTCAGTCTGATACTATTGCTCGGAGTTA  
TATCATCACAGCCCTTGAAGAATCAATTCTGCGAGTCAATTCAGCTATTCATCTTTAATGATGGAGCGTACCA  
CTGAAAAGTCCTTCAAGCTCTTCTGTCACAGGAGCGTGACCTTGTAAGGACACCAGTATGTTGTTAGCCTG  
TGGAGAAGAATCTCAACCGTTTCTGGAGAGCTGCGGTATATTGATGCTGTAAGATTGTTGTACACACTAAATG  
AGGCATCCAAAGGGTTTGTGATCAGGTAAACACAACATTAGCTCTTCTTACCCCATTCATTGCTCACGAGAG  
AGAAAAGTAGACATTGTATTGATGGAACGACCATTCTGCTTTCATGGTCATTTGGGGCTTCTCTACATCCT  
TCTAAGACCAAGGCGTCCGAAGCCAAAAATTAAGTGAAGATATGCAGTAGTCGGCATGTATCATTACAGAG  
GGAAGCTTCTCGAGATGTCTTGCAGAAAAGTAGAGGTTTCAATTTTTCTTTTCTCGTTGAAATCCATTTTGA  
AAGTTGAAAATGTGTTATTAGAAGAGGGTAAAAATGAGGATGTGAAAAATAGGTGATAGATTATGGGTTTA  
GCAAAGTTAAGGAGGGCATCATATAATCACATAAACAGAGGTTTTAGAATGTTTGGCATATTCATTTATGGGT  
CGGAAATCTCATGTACTGAGTTTTTATGCCATCTGAAGTTTCAATTTGTGTTAAAGTTTTACTGTC  
CGCAGCACACGGGTTTTACTCTCTCTTTTAGTTATTATTGTAATAACAGTGAAAAAGTTAATTTTTGGTTCAT  
GATGCTTGAACATAGTGTCTATTTGGTCTTTCGGATTTCAAAATGAAATTTAGTCAGCGAAGTTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1246 XM\_002314848|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA

ACTCTTCTTCTTCCGCTACGCTACGGTCCCATCGACGGTGGTATCCGGCGAGTTGCCGTTTTTCAGAGAAG  
CACCGGCATTCCAAAACGGCTGGGAATCGTCAACGGACGATGAAGCCTTCCGTTATCCATATCGCCATGACTT  
TGGACGCTACCTATCTCCGAGGATCAGTAGCGGGAGTGTTTCAGTACTTCAGCACTCATCCTGCCCGGAGAA  
CATAGTGTTCCACTTCATCGTCACGCACCGTCGTTAGAGCTACGACGCATCATCACTACTACATTTCTTACCT  
GAACTTCCATCTCTACCATTTTGATTCAAATCTTGTAAAGAGGGAAGATCACCTACTCAATTCGACGAGCTCTAG  
ATCAGCCATTGAATTACGCGATAATGTACTTAGCAGAACTATTACCAGTCGCGGTTAATCGAATCATCTACTTC  
GATTCAGATCTGGTAGTGGTGGACGACGTAGCGAAGCTATGGAAGATAAATTTAGGGAATCACGTGTTGGGA  
GCGCCGGAGTATTGCCATGCGAATTTTACGAATACTACACGGCGAAATTTTGGGTGAATTCAGAATATGCGG  
CGGCGTTTGAAGGGCGGAGAGCGTGTTATTTCAACACGGGGGTGATGGTGATCGATTTGGGGAAATGGAGG  
GAAGGGAAATACACGGAGAGGCTGGATAAATGGATGAGGATTGAGAAGAAGAACAGAAATTTATGAACTGGG  
ATCGTTGCCTCCATTTTGTGTTTTCAGGGGATGTTGAAGGAGTTGAGCATCGATGGAACCAACATGGG  
TTGGGTGGGGATAATTTGAAAGGGGTTTGTAGGGATCTTCATCCTGGTCCGGCGAGTTTACTCCATTGGAGTG  
GAAAGGGGAAGCCATGGTTGAGATTAGATGCTAAGAAGCCTTGCCACTTGATAGTTTGTGGGCTCCTTATGA  
TCTTTCTCGTCATTCTTCTGTGTTTCTGATAATTGAAGTTGCCGGAAGGGAAAAGGTCGCTGCCAATGCCGCC  
GGTGACGGTGGTTGATGTAAAAATGGATTGTTTTGTCAAGAAGCTACAAATTTTTTTAATTTTTGAGGTTG  
AATGTTCTTTGTAATGTAATTTAGATTGAATCAGCTGATTGTAGTCGACTAAGAATTATAAAG

>trans\_c\_1247 NM\_119436|Arabidopsis thaliana AtAUR1 (ATAURORA1); histone kinase(H3-S10  
specific) / kinase/ protein serine/threonine kinase (AtAUR1) mRNA, complete cds

TCTTCCCCGTCTCTCTTTCTGTCGTCTCTTCTCGCCATTCCCTCTGCTTCTTCTCTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTTTCTTCT  
CTCTCACATGGCGATTGCTGCGGAGAACCAGCCCCAGGAGAAGATTACCACTACGGAGGCCTCTGCTGTCTGA  
AAAGAGAAGATGGACGCTTAATGACTTTGATATCGGGAAGCCTCTCGGAAGAGGGAAGTTTGGTCATGTCTA  
TCTGGCTAGAGAGAAGAAGAGTAATCACATTGTGGCTCTAAAAGTTCTATTCAAGAGCCAGTTACAACAGTCG  
CAGGTTGAACACCAGCTTCGTCGGAAGTTGAAATACAGAGTCATCTTAGACACTCCAACATTCTGCGCCTTTA  
TGGATATTTCTACGATCAAAAACGGATTTATTTGGTATTGGAATATGCACCCAGAGGTGAGCTTTACAAGGAA  
CTACAGAAGTGCAAATACTTCAGTGAGAGACGTGCTGCTACTTACGTCGCGTCATTGGCTCGGGCACTCATAT  
ACTGTCATGGAAAACATGTAATCCACAGAGACATCAAACCAGAAAATCTTCTAATTGGTGCCAGGGTGAAC  
TAAGATAGCTGACTTTGGATGGTCAGTGCACACGTTCAATCGTAGGCGGACTATGTGTGGAACACTGGATTAT  
CTGCCTCCAGAAATGGTGGAGAGTGTGGAACACGATGCAAGTGTGGATATCTGGAGCCTTGGTGTATTATGC  
TATGAGTTTCTCTATGGAGTACCTCCATTTGAGGCCAAGGAACACTCAGACACATACAGGAGAATTGTGCAAG  
TAGATTTGAAGTTTCTCAAAGACCAATAATATCTTCAACTGCAAAGGATCTTATCAGTCAGATGCTCGTCAAG  
GATTGTTCTCAACGGTTGCCGCTACACAAAGTTCTCGAACACCCCTGGATTGTCCAAAATGCAGAGCCCTCTGG  
CGTATATAAGAGTTGACCTGCGTTGAATAATAATATATCTTTTGGTACAAAGCTTCAAAAATGATCTCCATTAC  
TTTGTAGCGTGTGTCAGTGTCTAACTGCTTTCTGTGAGAGGATTGTAACCAATTACTAATCGATATTCGATT  
CGATAATATATCCATTCAATTTTCATCCCGAAAAA

>trans\_c\_1248 NM\_116051|Arabidopsis thaliana RSP31; RNA binding / nucleic acid binding /  
nucleotide binding (RSP31) mRNA, complete cds

ATCTTCGTAAAAAGACTCTGCCTTTCTCTCCTCTAGGGTTTCTCTGCTCTGTTCTGAATCCGAGAATCTGCAA  
GTACGATCGTTTGTAGCAACGATGAGGCCGATATTTGTTGGGAACCTTGGGTATGACACCCGGCAATCTGAAC  
TGGAGCGCTTATTCTCAAATATGGGAGAGTTGAAAGGATCGACATGAAATCTGGTTTTGCCTTTGTTACTTT  
GAAGATGAGAGGGATGCTGAAGATGCCATTCGGGGACTTGATAACTTGCCATTTGGTTATGATAGACGCAGA  
TTGTCTGTGGAATGGGCCAGGGGTGAACGAGGTGTCATCGTGATGGGTCCAAGTCAATGGCTAATCAGAGG  
CCAACAAAAACCCTGTCTGTGATCAATTCGACCCCATCCGTACAAGAGTACGTGATATTGAAAGACACCTCG  
AACCTATGGGAAAGTGCTCAATGTTTCGGATCAGAAGGAACCTTGCATTAGTACAATTTGAAACGCAGGAGG  
ATGCCACAAAAGCCCTTGAGTGTACCCACATGAGCAAGATATTAGACAGGGTTGTATCAGTTGAATATGCTTT  
GAGGGACGATGGCGAGAGGGGCGATCCTTTTGATGAAAGCCCTCGAAGAGCAGGTGGTTATGGGCGGCCAG  
GGGATAGTCCCTACAGGAGGTCTCCAAGTCCAGTGTTTCGCCGTCGACCAAGTCTGACTATGGGCGAGCTCA  
TAGCCCTGCTTACGATAGATATAATGGGCCCTATGAACGACGTAGGAGTCCTGATTATGGTAGGAATCGAAGC  
CCTGAATATGGTGGTAGATTTTCGAGCCGTCCACCCATTCGGAGGTCAAGAACCTGAAGGAACTATTGTTGA  
ATTTTCAGTAGTTACATTCTTAGGTTTAGGTCTGTGGAGTGTGTTAAGTTCCTGTACAACCCTCGATTTTAACT  
CTTTGAAAAAACTATTGTTGGTAGATTTGAGATGTTGAAGGAAACACTTTTTATCTGTTTTTAGTTTTAACTA  
GTGCTATTGGGTTTTATCCAACAAGTTCAAGGCTATCGTGTCTTTCCAATTTTCACTTGTCAACAATCGAATCC  
AGCATCAATGGAAGTGAAGTGTTAATTCAAAAA

>trans\_c\_1249 GQ369508|Hevea brasiliensis plastid jasmonates ZIM-domain protein mRNA,  
complete cds; nuclear gene for plastid product

AAAGCAAAGCAAAGCAAAGCAAACCGCTATCTATCTAACAATCAAAAACCCACATATTCCTCGTGCTTTTTT  
CTTTTCTTTTTTCTTTTTCTTTCTTTTTTATTTAGGTTCTTCTTTATAAAGACTTCCACAGATAATTAATAATCCT  
TAAGCCTTCTTCCAAAAGAAAAAAATAAAAATTCATCTTCACCTTCAAGACATTACTTTTTCAACAACCCAT  
GTCGAGTTCTTCTGGGTTCTCTCACATTTCTTCTCAAAGATCCCTCTCCAACCTCCGAAAACCTTCCCTTTCTT  
CCCCTCCCCCCCATCTCCTTTCTCCCTCCCATTTCAATCTCGGTTTCTCCGCTAATCTCCGCCAACTAAAGGGA  
ACTTGACGGAAAAAATGGCGGATCGGAAGTCTTTGGATTGTTTCTCAAGAGGCGGGATTGGTAACTCAAA

CGACGTCGATTCAAGGGTTTATAAATCGGCTACGGCGGGGCTCAAACCTCCCAAATGACGATTTTTTACGCT  
GGCCAAAGTTTTTGTGTTCAACAATTTTCCGGCTGATAGAGTCGGCGACGTTATGTTTCTAGCCAGTCAAGAGA  
GCTCGAGATTGAACATCCCTACCACCGCTCCGTCGCTGCCCCGTCAGCCCCCATCTTGGTCGGAACCTCCCGCA  
GATTCTTTAAGCTCCACTTCCCCTGTTTCCACTCGAAACCAAACCTTCTCCTCCTCCGCCGCTCCCCCTCCTCCG  
TTCCCGGAGCTCTCCCGATGGCTCGTAAAGCTTCGATCCAGCGTTTCTTGGAGAAGAGAAAAGATAGACTAAC  
TCCGAGAGCGCCATACCATAACAGCTCTCCGATGACGAGCAAGAACTCCGGCGAGAATTCATGGCTGGGATT  
GGCGGTGCAGTCTCAAATAGTTTATAAGAAATATGAAAATTTGAAGTAGAGAGAAAGAAATTTAGATTAA  
AGAATAAAGGAAGGGAGTTTGTGTTGCCATTTTTGCTCAGGCCTCTGTTTTGTGAAAAGCTCTGTTTTTCGG  
AGGCTATGGTTTGCTTTTCTTCTTAACCTTATCGATTCTTTTTGGTCGATAATATCATTGTAAAATCAATACATA  
TTTCTTTTCTTTCTAAAAA

>trans\_c\_1250 XM\_002890018|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UBX domain-containing protein,  
mRNA

AGTAAAAAGGTGAGTTGAGCACTCATAATTCTTACCATACAGGTGCTTCCATTTTCATTTCCCCCTTA  
ATTTTCCTTTTTTCACTTGCCGTTTGGGTATCTACAATACCTTCTCTTTTATATATTGATTCACGATTAGATCTC  
ACCGGCAATTTTACAGTCCCAAGAATTTTCCAGCCACGGTATCGAATCGATTGGCTGACTTTTCAAATCGAA  
GAAAAGCGAAGAAAAACCAAGAATCCCCACTGATTGCCACCACAAGTTTTATTTTTTTAAAAAATTTGGTTC  
TTTCTCATCAACACTTTTGCTTTTGTGCCGATCGTCGGGTTTCAAGCGAGGGAAATGGAAGGGGTGCTCTCAG  
CCACCGATAAACAGAGTATGGTCTCCTCTTCTTGAGATTGCTGTGGGCCAGACTGCTGAGACTGCTAGACA  
ATTTTGCAGGCAACTAGTTGGAAGCTTGAGGATGCTATTGAGCTGTTTTATGTCGGTAATGAAGCAGGAGTG  
GCTGGACCACCATCTGTTCTTCTCCTCCACGTACAAATGAACAGATCAATTCTTCAACTGATCACACATCCAAT  
GTATCTGGAAAACATGCGGGACCTGGAACATTTGGACAATATGAGGATGAGGTCCGCCCTCCCTTACCTGTTA  
TAAGGGAAGCTCTTTATGATGATGCAATGTTGTATGGAACAACTATGGGGTATCTGCCAAATGAATCTGGATC  
ATCAATAGGGTCCGGAACCTTGCAAAATGAAGTGAACATCATGATGTTTGGGAATCAGGAGATGGTGCAGC  
ATCCACAAGTGGAATTTCTCGAGATAATTTAGCTTCTTTATACCGCCCTCCTTACCATTTGATGTTCACTGGGTC  
CTTTGAAAAGGCAAAAGGTGCTGCCTGCGTCCAGGACAAGTGGCTGATAGTAAATCTGCAGTCCACCAAGGA  
ATTCAGCTCGCATATGCTTAACCGGGATACATGGGCAATGAAGCTGTTTCTCAAACATTTCTACCAATTTTAT  
TTTTTGGCAGGTGATGATGATTCAACTGAAGGCCAAAAGGTCTGCACATATTATAAACTAGAAACAATTCCT  
GCTGTCCTTGTCATTGATCCATAACAGGGCAAAAATGCACTCTTGGGTTC

>trans\_c\_1251 NM\_118271|Arabidopsis thaliana F-box family protein (AT4G21510) mRNA,  
complete cds

AACTCCGTAGTTCCTGAGTTTCCATTTCAAGAGCATAAGCAAAAACCTTTCTTTGAAATCTCAAAACACAAAA  
ACAGATAGTCATACATTGAGATATTGGAATCTCCTTCTTAATCAGATAAAACGAATAGGTTTAATTTAATTCGA  
GTATTTGAGAATTGAGAATGGCTTTGGGAAAGAAGACCGGTTGTTTGAAATCCAAAAGCGTCGTCTCTGCTGC  
TGATAAAGGACTGGATTTCCGAGTCGTGAGATATACTCGTGGTTAGGAAGGAAACGTGTGCTGATTTCTTGC  
AATGAGAAGATTATCCATCGACTTGACACCGAAGGCGCCGTCCAAAAGGCACTGCAACGTTGTCAGTACGG  
CGGTGGAGGCCGATAGGTCTCTGCTCGAGGCTCTGCCTCAGGAGATTCTGATTAGGGTTCTCTGCGGTGTGG  
AACATGATGATTTGAAACAGCTAATCCGCGTTTCGAAAACAATTAGCGAAGCGACTTTGATTGCAAAAGACTC  
GCATTTGCTTATAGCACTCCCTCGAAGGTCCGTGCGTTTCGCACCGCCATTGAATTAGACGACTCCAGCGATT  
TCGACGAGATTGAAGCGCCAAATGCTCGTCCCAAGACGATTGAGATCTCCATTAAATAGAAAGAAGCTAGC  
GGAGATATCCGTAGCCTTATTTGCCGAAGAAGAAGATGAATGGCCAAAGAAGAAATTGCCATTTGGACAGA  
GATGTGAATTTCAACAACCCAGAGGGCTCTGTAAATACAATCTGTACTCATACTGTTGTAGAAACGCGGTTGT  
GGTGGTAGGAAGAAAGCTGTACTTAAGGATCTGGAATCTCAGATCTTGGTTGAAGAAAAGAAGTAGCTGTA



CATTCCCACTGACCAAATCTTCAAATCTTTCGTTGAAGATGAAGATGGTGGGTGGGGTTAGAAATGCATTTCTT  
TTTTCTTTTTTTGTACAGGTATTATTACAGACAGATTGATAGGCAAATTCGTTGATAAAGGGTAGCATTTTGG  
TTTAGTCCCTTTCAAATCTCTGATAAATTTGAACAGTACATTTGTATGTACTTCCTCTCATTCTTTCTTTATCTAA  
TAAAAATCGAAACATATTTTTCTCGCAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1252 NM\_126615|Arabidopsis thaliana ORG4 (OBP3-RESPONSIVE GENE 4) (ORG4) mRNA,  
complete cds

ATACATTTATGCGTAAACCAAGAATTTCCCATTTTTGGTTTCGTTTCAAGGCTCTCAATTCCCTTTTCCTCTCAAA  
ATCAAATCTTTTTTCTTTTTTCTTGCCGGGTTTAAAGGGGTTTTTGGTGGGTGAATTTCACTGAAAACGGTTC  
CGGTTTCCTTGATTTCTGTTTAATTTTCAGCTATAATTGCTTAACATATGGATTCCGGATCAAGTGGTGACGAACC  
CACTTCCTGGGAAGACCTTTGTAGTATCAATTTGATGCCCTCGGAATTGTTCTTGAAGTTTCGTAAAGAGTTGC  
AGGGCTTTTCGAGTTGGTGTCAATTTGGAGTTCTACAATGCTCCATGTAATGAATATGAAGCCAAGCTTGTTCTG  
AAGCCATTATATCCGAACCAGCGTTGGAAGTTTATCTATGAGCCAATTCGTCAAGATATACGTCTTCTTTCCAA  
AAAGATTCTGTACCAAGTTTCTAAATCTTCAGGTTGGTATTGGACATAATTTTCAGATGCACGCCACTGGTT  
GGAAATGGAAGCTAACCATTGTTTAGGTGGAGACGGTGTATCTCGCATACGAAACAAGTCATCTATTAGCCC  
GTTTCCAGGATTGGATTTCCGCTTCGGATGGAGGGCAGATTATGTTCTTCTGAAATTACAGGGGGCCCTAGGC  
ACTGGTGAACCGTTGTTAACATGAACCTCGGGAAGATTGGAAGCCTCACTTGATAGAATAGAGGCCATTGTCA  
CACACAGTCATGAATCTTGAACATCACCCCCATTGTGAAGTTGAGAAGGTGAAAAGTATAGCAGCTGTATAAT  
TCAAAGCTTCTAAAAGATGAAAAATTTGCCAGTTTACTTTCTCAGGATGACAACTTTTACAAGTTGGTTTTGGA  
GGTCTCTCTCTTCTCTCTCTAATTTCTCATGTTTTTTTTGGTTCATTTTAGTTGTAAATTTGAAAATCAATCAAG  
GTGAGGAATCTGTGGAAGATGGATACTTCTGTTACACATTTGTTCCGACCAAGTAAATGAATTCATCATACAT  
AATATGATTAATGTTTGGTTGGCGTGGACATCATACGTCAAACATAACAAAATGAATTTAAATATTTACATGTA  
TAATAAATATATTGGTCTATCACACATAGACTACTATTTATATTTA

>trans\_c\_1253 DQ997706|Populus trichocarpa CBL-interacting protein kinase 16 (CIPK16) mRNA,  
complete cds

TCATACGCGTGGGATTTACCACCGCGATCTGAAGCCGGAGAATCTTCTCGTTGATGAGAATGGGAATCTCAAG  
GTCTCTGACTTTGGTCTCAGTGCGGTAACCGAACAGATCCGTGCCGATGGCCTTTTGCACACTCTTTGTGGAAC  
TCCGGCCTATGTTGCGCCGAGATTTTGTGCAAAAAGGGATACGACGGTGCGAAGGTTGATGTGTGGTTCGTG  
TGGTGTGATTCTTTTCGTGTTGAACGCCGGTTACCTTCCGTTCAACGATCCGAATCTCATGGCCATGTATAAGA  
AGATTTACAAGGGGGAATATCGGTGCCCTAAATGGATGTCGTCGGACCTCAAGAGGTTTCTATCGCGACTTCT  
GGATACGAATCCTGATTTCGAGGATAACCATCGAAGAAATCTTAATGATCCGTGGTTCAGAAAAGGAGGAAA  
TCCAGAGATCAATTTCTACGATGATTACGAGATGAAATCGGAAGAGAAAGACGAATCTCCATCGATGAATTTG  
AATGCATTCGACATTATATCTTTCTCATCTGGATTAAACCTGTCTGGTTTGTTTCGATAATTCACAAAACGTTGTG  
GATGACAGTGATCGATTCATATCGGCAGAGTCCCCGGAGAAGATCGTGAAAAAATAGAGAAAATTCGGTAAG  
GCTGAGGATTTGAAGGTGAAGAAACAGAAAGAATTTGGGGTTGAATTGGATGCGAAGAATCATGAATTGGT  
AATCGGAATAGAACTTTCCGGTTAACGGACGAATTGGTGGTGGTGGAGATGAGAAGAAGATGTGGAGATTCT  
AGAATCGTATAAGCAAATGTTGAAGAAGAAGCTGAAAATTCATCTAACCGGCAATGACGCGTCGACGTCGAC  
TTCCAATAAGAATCTGGCGACCGGAACCGGTGAGAGATTGTGGATTTCTTCAAACTCAACAAGAAAATTAG  
GGCATCATACCCATTTCTTCAATGTCCAATTGAATTTAAGAAAATCAATAATTCTAATAAAAATAAAGAAATTTAA  
AAAAAAGGGGGGAAGAACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGGAATCAAG  
AAGGTTAATGAATGAAGTAGTTAAGAAGTATAATACATTTTGTTAATGTTGTATGTAATTTTTCATT

>trans\_c\_1254 NM\_100461|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein  
(AT1G05805) mRNA, complete cds

AAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCAAGTGGAAGTGGAAGTGGAAGTGGAAGGAGGA  
GGAGGAGGAGGAAGACTAAAGAATCAAATGAGTTTCAATGGGCAAGATAATTCACCTTTCTCAAATCTCAGAA  
ATTAGTGAAAAGTTTCGTAGAGGCAGCCAATTCTTGTAGCAATGGCCTTCAAAGCAACACCAATTCACCCATTCT  
CTTTGCTCCTTCTTCTGCTTCTGCTATGGATTCTTCTGGGACACTTCTAGTAACTCCATCGTCTTTGCTGCTCCT  
CATGCTAAAAGATCCAAGCACCACCATTCCGATGCTGACTTCTTCTCCGGCCTCGAGTCGCAATTTAGCTTGCC  
ACAAACAACCCTAGAAATGGCAGCTGTGGAGAGGCTGCTACAAATTCCTGAAGACTCCGTTCTTGTAAAGATT  
CGAGCTAAGCGTGGCTGTGCTACTCATCTCGGAGTATCGCCGAACGGGAGAGGAGAACTAGAATCAGTGGA  
AAATTGAAAAAACTTCAAGAGCTTGTTCCCAACATGGATAAGCAAACAAGTTATTCAGACATGTTGGACTTAG  
CAGTGCAGCATATCAAAGGTCTTCAAATCAAATTCAGAAGCTTAACAAAGAAGTTGAGAATTGCACCTGTGG  
AAGCAAAGAATGCTCATGACATTTGGAATTAATTAGAGTTGGAATATGAATTATCTTCTCAAATTTTGCT  
TTTTTTTCAAAGAAATTGTTCTTTTCACTAACCCAAAAAATTTAAAAAGAAAAAAAAAAAAACAATAAAAGGTGGG  
ACAAAAGAAAAACAAGAATGAGTAAAGGGCATTGTTGATTGTACATAATAATTAATGGAAGCAGCTCTCCAGC  
TCTAATTAATTCCCAAATTTCAATTACAATATTTTAGGTTGCTTAAGTAACCTAAAATATTTTAAGTTTATTTTGA  
GATCATTCTTCTTTCTTTTCTCTCATGTAAATAATTTTGAATTCTTCTTTGGTTGTCCATTTTGTGATTGT  
CTTTCTAAGTATATTAGAGAAACATATAAATTCGACTTCTTTTTAATTTCAAAAACNAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1255 XM\_002298781|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription  
factor (ERF40), mRNA

CAAAGCAGAGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAAGAAAAAGAGGAATCGGAAGCCGTTAAGAGCAAAGAAA  
GAAATGGAGCTCCGGCACAGGCACTGGCGTTAACCTTCTCCAATAGGAGGTGGTAGCTTAAACATTCAGGA  
ATCTGCAAAAACTCCCTTGCAATTTTGTCTACCATCTCCGAAAAACCTCTTGATTTAATTCATTTCTTTTACCT  
AAACACTCCGTATTCTTTCTTATTATTCATCCATGCGGCGAGGTAGAGCCACGGATCCATTGACGGCGCCAGAA  
TCAGTCCAAGAACCTGTAAAGAAGTCCGATTGAGAGGCGTTGGAAGCGTCCATGGGGCCGATACGCCGCC  
GAGATTAGAGATCCTTGAAGAAAACTCGAGTTTGGCTAGGTACCTTCGATACGGCGGAGGATGCTGCCAGA  
GCTTACGATGAAGCTGCTCTCTCTCCGAGGACCCAAGGCGAAAACGAACTTCCCTTTCATCCATCTACTAT  
CTCTGTTTCATCAACAAATTCGTTCTCGCAGCAGTTTCATGATTCCGGTGGATTCTGTGAGATTAGTAACATTAT  
TCCAGTTAATAGACCTACGTCGAGTAGTCTGAGCTCCACCGTGGAGTCATTTAGCGGGCCACGGCTTTCGATT  
CCGGTTCGGTCGGTTCCAAAGCTCCGTCGGAAGTCCAGCCGCAGGTTGCTCCCGACGATTGCCATAGCGACT  
GTGATTCATCGTCATCGGTGCTTGATGACAGTGAGGAATATGCTCAGTCGTCGTCAATTCGTAGAGTGTTGCC  
GTTGATCTGAATCTACCTCCTCCACTGCCGCCGCACATGACGTCGATTTATCCGGTGATGATCTTCATGCCA  
CTGCTCTGTGTTTTGATATATTATCCTACTTCTCAATCACCAATACCAAACGGTTTACTCTCTTTCATTATCTAT  
TTAACATTCTATCGGTTGGGTAGAACTTAAATGATACTTTGTCTCTCAGCTGCTGCTTGTGAATGAGAAAA  
ATTTTCTTCCAGTCCCTAATTTCTTAGTTTCATGATGTAGATTAGCATCTGGATTTTACCAACACAAGTTCTCTA  
AATCTTTGTGTCTCCATGTCCTTAAACAAAATGAAAGAAATCCATGAATATTGC

>trans\_c\_1256 NM\_127616|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock family protein (AT2G20560)  
mRNA, complete cds

AGCTTTAACTCTACAATTCTAGCTTCGAACTTTTTGCAGATTTAGATCAACAAGAAGTCGAAGGAGGTGCA  
GGTTCACATGGGTGTAGATTATTACAAAATTTTGCAGGTAGACAAGAACGCTAAAGACGATGATTTGAAGAA  
GGCTTACAGGAACTTGCCATGAAATGGCATCCCGATAAGAATCCCAACAATAAGAAAGAAGCCGAGTCTAA  
ATTCAAACAGATCTCTGAGGCTTATGAGGTTTTGAGTGATCCACAGAAGAGAGCGATCTACGATCAATATGGT  
GAAGAAGGTTTGAAAGGTCAGGTACCTCCTCCAGGCGCCGGTGGTCCAGGTGGAGCATCGTTTTTCCAACT  
GGGGATGGACCAACGGTGTTCAGATTCAACCCTAGAAATGCCAACGATATCTTTCAGAGTTCTTTGGATTTT

CGACTCCGTTTGGAGGAATGGGCGGCGGCGGCGGCAGTGGTATGGGCATGAGGGGCGGTCCCAGGTCATTT  
GGTGGTGGCATGTTTGGGGATGATATGTTTCGCTTCATTCGGTGATGGCCAGCCGATGAGTCAAGGACCACGA  
AAAGCTGCTCCAATTGAAAGGAGATTGCCATGTAGCCTTGAAGATCTCTACAAAGGCACCACCAAGAAGATG  
AAAATCTCTAGAGAAATAGCTGATGCTAGTGGGAAGACATTGCCTGTGGAAGAGATTCTAACGATAGAAATC  
AAGCCTGGTTGGAAAAAGGGTACGAAAATAACATTCCCAGAGAAAGGGAATGAGCAACCAAACGTGATACC  
AGCAGACCTTGTTTTATTATAGATGAAAAGCCACACAGCACATTCACAAGGGATGGAAATGACTTGGTCGTT  
ACAAGAAAAATCTCTCTTGCCGAAGCCTTAACAGGTTACACAGCTCATATAACCACACTAGATGGAAGGAGCC  
TAACCATCCCAATTAACAATGTCATTCATCCAGATTATGTGGAGGTTGTACCAAGGGAGGGCATGCCAATACC  
AAAAGAACCCTCCAAAAAGGGGAACCTGAAGATCAAGTTCGATATCAAATTTCCACATACTTGACTTCAGAT  
CAAAAATCGGGGATTAAGAAACTTCTGGCGTCCTAAGACTCTGCCGCTTGCTTCACTATTGTAAAAA

>trans\_c\_1257 FJ360627|Solanum lycopersicum cultivar San Marzano cyclopropyl isomerase (CYC1)  
mRNA, complete cds

TTTGAAATTTGCGAACACCAAAGCGAAAAACGCCTCATCACCTCACTCCTCCCTCGGTTTTCTCTTAATTCAGT  
TGGAGAATTTCAAGCCGACCATCTGGATATCTTTATCATCTCAATTCACATCTTAATCACTTTTGTAAATGGCCG  
GGGGTTCTGGTTCTTCTACCTCTAATCATCATTCTTCAAGCTTATGGCTCTCTTCAAACCTAGCAAGAGATGG  
GGTGAACCTTTTTTTCTTCTACACTCCTTTTTGGCTCACTCTTGGCTGGGAATTGTCATTCTTTCAAACCTCTA  
CGAGAGGTTTACGGAATTGGAATATTTGCTTCTTGGGTTGTTAGCAGCACTTCCTGCCTTCTTGATACCGGTGG  
TGTGGCCTGGAGAGGCTGATCGTTGTTTGCTTGGAAAGATCGATATTGGGTGAAGGCTAGTCTTTGGATAGT  
AATCTTCAGCTATGTTGGAAATTACTTTTGGACCCACTACTTTTTCACTGTTTTGGCGGCATCTTATACTTTCCA  
TCATGGAGGATGAATGATGTACCACACACGACCTTTCTTCTTACACATGTATGCTTTCTATTCTATCACGTTGCA  
TCTAATATGACTCTTCGGAGACTCCGCCATTCTGTTGCCGACTTACCGGAGAATATTCAATGGGTTACGCTAGT  
TGCATGGATTTTGGCACTCTCATACTTCATTGCATACCTGGAGACTTTGGCCATTTCCAATTTCCCTTACTACCA  
ATTTGTGGATCGGGCTTCAATGTATAAAGTTGGCTCTTTGTTTTATGCCATCTACTTCTTCGTCACTTCCCAAT  
GTTCTTGAGAATTGATGAGAAACCTGGTGACCTTTGGGACTTACCTAGAGTGGCAGGTGATTCTCTAAGAGCA  
GCAATGTTGGTAACAATTTTACTCGATCTTTGGCGCATCTTCCTTGGACCTATTGTACCACTCCGAAAAAGCA  
ATGCTCTCAACCAGGGCTGCCATGGTTTCTAGGACAAGCCAAGTGAAACTTCAGGAAGTCTTTGCTGTTAGT  
GTTAAATGTGGTCTTGTTGTATTGTAGTTACTATGTTAGTTTTAGCTCTGTTTGTGAACACTCTTAGCCTTCG  
TTGTATTAGATACTCTTAATGATTAATCATCCTTCCATCT

>trans\_c\_1258 EF396238|Nicotiana benthamiana RAN GTPase-activating protein 1 (RanGAP1)  
mRNA, complete cds

ACAGAAAAATTTGGAGGAGCTTTATTTGATGAATGATGGTATTTTCAGAGGAAGCTGCAAGAGCAGTTCGTGA  
GTTGATTCCATCCACAGACAAGCTTCGGATTCTTCAGTTCCACAATAATATGACGGGAGATGAAGGTGCAGTT  
GCAATTTCCGAAATTGTAAAGGGTTCTCCTGCATTGGAGGATTTCCGGTGTTCTCAACAAGGGTAGGTTCTG  
AGGGAGGGGTAGCTCTAGCTGAAGCTATTGGTACTTGACCCGTCTCAAAAAGCTTGATTTGCGTGACAACAT  
GTTTGGGGTGGAAAGCTGGAATTGCTTTGAGTAAATCCATATCTTCCTTTCAGGTCCAAGTCAAATCTATCTTA  
GTTATCTGAACCTGGAGGATGAAGGAGCTGAAGCATTGGCTAATGCTCTTAAAGATTCCGCTCCGTCACTTGA  
AGTACTAGAAATAGCTGGAAACGATATAACTGCAAAAGGCGCTGCTTCAATAGCAGCATGTGTAGCAACAAA  
GCAATTCCTCAGTAAATTATATTTGGCTGAGAATGAACTGAAGGATGATGGTGTGATTTTGATTGGCAACGCA  
CTCCAGGATGGACATGGTCAATTGAGCGAAGTTGACTTCAGCACAAATTCAATACGAAGGGCTGGGGCAAGA  
TTTGTAGCACAAATATTAGTACAGAAGCCAGGATTTAAGCTGCTAAACATCAATTCCAATTATATATCTGAAGA  
AGGAATCGACGAAGTGAAGGAGATATTTAAGAATTCTCCTAATATGCTTGGGCCTTTGGATGAGAATGATCCA  
GATGGAGAAGACTATGATGAAGATGCTGAAGAGAATGGTGATCATGATGACGAAGTCAATCAAAGCTCAA

GGGCTCGACATCAAACGAGAGGAGTAAGAATCTCACAGGTCAGATTTGATCATTCTTTGATCTTCACCACTG  
TTTTGTTTCTCGTTTCTTTTTGTTTGCTGCATGCGGTAGTTCCATACCAATATTTAACCAACTGTAACAAGTCTC  
TCTTTTAGCTAGGCATCAGAATCCTAGTTTAGAGATTTTTAAAAGCAAAATTAGCTGCTTGCTATTCTGTTATT  
TGCCGGCTCTATTTTTTTGTTGGCATATAAATTGATGCAGTTCATTGAGATATTCCGCCAT

>trans\_c\_1259 NM\_126297|Arabidopsis thaliana cinnamoyl-CoA reductase family (AT2G02400)  
mRNA, complete cds

AATTTTGAATTGCATGGCAACTCACAAGGAGAAAGAGCCAGTTTGTGTGACCGGAGCCAATGGATTCATCG  
GATCCTGGGTCGTCCGTGTGCTCTTGGAGTCTGGCTACACTACAATTCATACCTCCATCTTCCCCGGCTCCGATT  
CTTCCCATTGTAAATCTCCTGCCCTCTACTAACCTAATGCTAAGCTTAGGGTTTTCGAAGCGGATGTAATGG  
ACGGTGAGGCGGTGGCCAGAGCTGTGGAAGGCTGCAAGGGAGTGTTTCATATCGCATCCCCCTGTACATTGG  
AGGATCCGGTTGATCCACAGAAAGAATTGGTGGAGCCGGCGGTTCAAGGCACCGTGAACGTTCTTAATGCGG  
CGAAGAAGTTTGGAGTGAGGCGTGTGTTCTTACTTCGTCTATTTGCGCTCTTGTCCCTAATCCTGGTTGGCCG  
TCCGATATGCCATTTGATGAATCTTCATGGACGGACCTAGAGTACTGCAAAATCCCGCAAGAAATGGTATCCAG  
TTTCTAAAACATTGGCAGAGAAATCAGCATGGGAGTTTGCAGAGAATCATGGACTAGATGTTGTTTCCATCTT  
GCCAGCCACATGTCTTGTCCTCTTTACAACCCACTTTGAATGCAAGTTGTGCTGTATTGCAGCAGTTGCTCC  
AGGGATCCCAGGATACTCAGGAATATCACTGGTTGGGTGCTGTGCATGTCAAAGATGTTGCAAAAGCACAAA  
TTTTATTGTTGAGTCTCCTACTTCTTCTGGTAGATATCTTTGCACCAATGGTATCTATCAATTTCCGAGTTTGC  
AGACAAAGTTGCGAAAATTTGCCCTCAATTTCCAGTTCACAGATTTGTTGGAGAAACACAACCCGGGTTGGTT  
GGCTGCAAAGATGCAGCGAAGAAGTTAATTGATCTGGGATTTGTTTTCACTCCTCTTGAAGTTGCCATTGAAG  
ATACGGTTGAGAGTCTTAGAAGCAAAGGCTTTTGAATCAGTAAGTAATTATTGAACTAATCTGAATAATTTT  
TTTATTCCTTTGAATGCAAATTGATGCAACTCTATCTATTTATGAATAAGTAGATCTTGTAGAATTGCTA  
TACTTTGAGATTTGTTTAAATGTCAAGAATATGGCTGGAGGCTTTTATCTTTCT

>trans\_c\_1260 AF386951|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F17L21.8) mRNA, complete cds

TCCCTTTTTGTTTTCTCGCTATCCAAACAGAAATTCGAGTTAAAAGTGAACAAGAACTTTCTGGGTTACAACCA  
AAAAGGGTATTTTTAGTTCAATCTTCCATTTGGGTTTTACCGTTTGGTGTTTATGTGCTGTGGCTTGAATGATT  
TCGTCAAGAAACAAACGAAGTTTTCGTTATCACATCTATCCACTTGCTGTTCTTGTGTTGATGGGTTTTAGTCT  
GGCTTTCCAATCCAATCATAGCCCCCTTTTCTTTGATTTATCCATTGCCCTCGACTCTTTCAACAAAAGCGTTGT  
TGGGCTTTCTTTTCTTGAGAGGTTTTTGCCTTTTATGATCGAAGAACTATGATGCAACGACAGCAGCGAGATG  
GGGGGAATCGAGTGTTTTCTACGAGCTTTCTTCTTGTATGAACATTCTCCGAACCTCTCCGTCGTCGATTCC  
CGTTTTCCGATCACTCGCCGGTGGTTTCAACCGCATCATCGTCGCGACGGACGATTCCAGCGCAGATAACTCC  
GGCGGGGTTTGCCTCGCTACTTTTAGGAATTTCTCTGGCTCTGATGCTCTGTGGATCAGTTACCTTCTTCATCG  
GCTTCATGATGATGCCTTGGGTTATTGGATTGGTTATGTTTTCTATGTCGCCGCGGTGGTTTCATGTCTCTCCA  
TGATTGGACGCTCGATTATCTGCTATGCCACGGCTCCGCCTAGAAAGGATATTCCTGCTTGAAACTAATGTG  
AAGAGGTACATGATGATGGAAAATGGAAATAAAAAAATGTTGTTTACGTGGCAGTGGGCAGCTCTATTTCC  
TTGGTGCTGCCTTGCTGGGTGGCTTTCTTCTAACTCGACGAGGAAGAAGTGTGTTAATATTATATTTTCAT  
ACCATACTGGATCCTGTTGATATTGTTTCTGTAAATTTGAAAGGAGCAAAATGTTGGAAGGTTTAAGAATATGA  
TAAAGAAATGCAAGATGTGGGGGACTTAATTCATTTTCTTCTCTTACCCTTAAGCCATCATCCATACCT  
TTTGAGGTAAATCTGTATTGATTATAGAAGAAAATAGCTGTTAGGTTCTCAAATATGAATTCAGAACTATGT  
TCCCCTCCCCCTATTGTCTTTTCTTCTCAATATCTTCTTCAAA

>trans\_c\_1261 BT003122|Arabidopsis thaliana At1g61150 mRNA, complete cds

TCGAAGCTGAGGGATCGCCGGAACGCCATTTATTACTTCGATTCAAAGAATTGGCAATCCACTCCGAGCAGCA  
AAGAATCTTGATTCATAGGATACCTTATCCTCCGAAGATTTCTTCTAGGTGAGTTTGCGGATTTGCTTGTGTAT  
AATCGATGGGTTTGAAGGCGGTGTAAGTGTGATGTCATTGTTCTGGATTGTGATTCGTCATTTGCAGAGAACGAA  
GCGATGGCCACATCAAAGAAAGTCATTACAAGGGAAGAGTGGGAGAAGAAGCTTAACGACGTAAAGATTAG  
GAAAGAAGACATGAATAAATTGGTAATGAATTCCTCGTCACTGAAGGTTATGTTGATGCAGCTGAGAAATTC  
CGGATGGAGTCTGGGGCTGAGCCAGAAATAGATCTTGCAACCATAACAGATAGAATGGCCGTTAAGAAGGC  
AGTACAATGCGGCAATGTTGAGGATGCAATTGAGAAAGTGAATGATTTGAATCCTGAGATATTGGATACAAA  
TCCCAATTGTTTTCCATCTCCAACAGCAAAGATTGATAGAATAATTGTAATGGAAAAGTAGAAGAAGCTC  
TCGAATTTGCTCAGGAGGAGCTTGCGCCAAGGGGAGAAGAAAATCAAAGCTTCTTGAAGAATTGGAGAGA  
ACTGTTGCTTTGCTTGTGTTTTGAAGATGTTTCCAAGTGTCTGTGCGGGACCTTCTGGACATCTCTCAGCGCTTG  
AAGACAGCAAGTGAAGTTAATGCAGCCATCTTAACAAGTCAGAGTCATGAAAAAGATCCGAAACTCCCAAGC  
TTGTTGAAGATGTTAATGTGGGCACAAGACCAACTCGATGAGAAAGCAGCTTATCCTCGCATAAATGATTTAT  
CGACAGCTATGCTTGAAGATCCTCCTGTTTGAAGATATATCATCTCAAATGATCGATCGTACAAAGATGTCTCAA  
CGTATTTGATTTGATACATTGTGGAAGGAAAACAAAGGAAGAAAAAATCTTTGGTTTGATACATCTCAAATG  
TGAGGTTCTGTCTAGAAATATGATCATTTGTAGTTTCTTGGTTTTAAATTCCTTAGTTACTCTTACTGTTTGTG  
AAATGTTATGGTGGTTGTATACAAATAGATTGTGCAACTTCTCTGTTCTTCAAATGTTGAA

>trans\_c\_1262 NM\_001051534|Oryza sativa Japonica Group Os01g0881400 (Os01g0881400)  
mRNA, partial cds

GGCCTTGCAAATTTTAGCACCAAAATGGGATTGTTTCAACCACTCCTGGTTGTCGAGCCATGGATTGATTAC  
GTAAAAAAGAACTCAGTGGTTCTAGTTTAACTTCAAATGGCCTAATATGGAAGCTTTTGGTATAGCTGAGG  
ATAGTTCTTCAGATTTAGATGCATCTGTGATTGAAGTGAGTTGTTCTTCTGTAGTTGAAGCACCCACTCAAAGA  
AACGTAGACCCTCAATCAAATCAGTGAAAGTGATCCTGTTCTCAAGAAATGTTAAACATTTTGTCTTCAAG  
CAACTTGCCACCTCTCACATTATTTGGACGAGCTAGACTTGCCATTGAAGATGCCACTTTGTTTCCAGAAGAAG  
TTTCATATCCATCTACTGAGAACGAGCCTGTAGAAGCAGTTGGATATAATATAGCAGACCTATCCATTCATGAT  
GCCAAGGTTAACTGAGCGACAAATCATCAGCAAATTCTAAAAATGAAGTTCACTGCAAAGGAAAACACAA  
GAAGTTTGCAATGATGCATTATCAGCTGACGTCAACGCCTCACTTTACTCAGATGGAGCTAAGCTCCCTATTT  
CTGAAATACAAGTTTTGTCAACGAACAATAATCTGCCAGAAGTATTCAACAGTGATGTAGGAGAACATGTCCA  
TGAGCAGGAAAGTAGAGTAAAGGAAAAAGAGTCATCAGACTACTGTAAAGATGTCTCCATTATTCTTGAAAC  
ACACGTCGGAAAGATGGTTAATAATGACAGAATAGCAGCGTGTAGTAATTCACATCTTTTAAAGTGTGGTTCT  
TCAAAGGGATTTAACGACAAGTTTAGAAAGTTGTATAGGTCAATGAATGTCCCTGTGCCTGAGCCTCTTCTTCT  
GCTGGTGGAAGTTATGAAATCTAGAAAACGGGTAAAGAGGAATGGATATTTCTAGTTATTGCATATTAACAAC  
GCCACTATTCTTTAACAACTTGAATTGATTACAGATACGAAAGTGAAAATAATGGCCAAAGTTGGATTCAAT  
AGTCAACTGATCTTCTACCTCTAAGGGAAAAATCCTTCTTTTTTGGTCAGTTGTGGGTGAGGGATTCAAACC  
CTGACAGTGGTTCTTAGCCACGTGCTTAAATCCTTTTGGCCATTTTTCTCAATCT

>trans\_c\_1263 AY054209|Arabidopsis thaliana At1g18720/F6A14\_17 mRNA, complete cds

AATGGAAATTTGGGAAAGTTGAATTATACACATTCGCATCTTATCAATCTGAACACTGAAGCCGTCTTGAAATT  
TCCCTTCCAAATTTCAACGCGGCCCCAAATCCAAGTCCAAACTTCCAAATTTGACGCCATATCTCTCCCATTC  
CTCACTCCACACATTGGATTATATATATTTCAATGTGCCTTTTCGCTCTGGTTTTCTAATCCACATCCTCATCT  
TCCCTTTTAAACCACTTGTTCTTCCCTTTCTTCTCGCATCCATTTCTTCTGGATTTACCTTCCATTCGACTCG  
ATTCTTTACTGATTTCAATGGGTAGGCGTGGATTGTTGATCTCGAGAGGCATTTTGCATTCTATGGCGCTTAT  
CACAGCAACCCAATAAATATTTTCATTCATATTCTTCTGTTTGGCCTATCTTCTTCACTGGGCTCATGCTTTTCT  
ATTATACCCCTTCTTCTACTCTTTTCCAAATGCCCTTGTGGCTTCAATACTGGCCTTGTTTTGAATTTTGGGTT

CTTGTTTGCTTTGCTTTATGCTGTTGTTTATATACTGTTTGACAAGAGAGCTGGATTTTTGGCTGCTTTTATGTG  
TTTTCTCTGCTGGGTTGGAGCTAGTGTTTTCGCTTTTAACTTGGATGGACTCTTACTTGGAAGGTAGTGTTGG  
CCGCTCAGTTGTTCTGCTGGACTAGTCAGTTTATTGGCCATGGGGTGTTGAGAAACGTGCACCCGCTCTCATC  
GACAACCTTGCTCAAGCTTTCTTAATGGCTCCATTCTTTGTTGTATTGGAGATCCTTCATGCTTTATTCAAATAC  
GAACCGTATAGTGGTTTTACGCCAACGTTAAAGCGAGGATAGAAGCTGAGAAGAAAGTTTGGCAAGACAAG  
AAAGAAAAAAAAGCTCTTAGCTCGAATCCCTTTTTTAGCTGTATAATAGAGAAGTTATGTCTCAATGCATATG  
TCGACGCGTAGTCGATACGTTGTTAGGTGTCTGATTTTGGTTTGGTTTGGTAAATTGTCTAATGGGAAAAC  
TTCAAATTTGTTTTGAAAATTCAGTAAATAGAATTTGCATACTGTTTTCATTTGAATAAGATCAGAATGCTCCC  
ATTTTCTTCCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1264 AF499724|Thellungiella halophila aluminum-induced protein-like protein mRNA,  
complete cds

AAGTATCTCTAAACTCCAGGTCCTCCGTCTTCCAACGCAACCGATCTTTCATCACCTGTTTTGCATTGCGAAAC  
GAAACCAACCGTGTGTTTTAGTTTTCTATTTTCTGATCGACGATCTACAAAATGCTCGCCGTCTCGAAAAATCT  
GTCGCCAAAAGTCCCGACGCTCTGCAGAGCCCTGAGTCCGATTCCACTTGGGCTCTCAAAGATGGAATTCTGG  
CTCAGCATTTTAGCTCCGCTATCCTGGTTCTGTCATCGTCAACCTCGGCTCCGCCGTCTCTTGGCCTATTCCG  
TCGAAAAACAAAACCTCTCCTCCCAAGATTATTGCGGTTGTGGACGACATTTTCTGCTTGTCCAAGGGCAC  
ATTGAGAATGTTGCTCAACTCAAACAACAATATGGTCTGAACAAAGCTGCAAACGAGGTTATAATCGTTATTG  
AAGCCTATCGAACATTAAGAGATCGGGGTCCATACCCAGCCGATCAGGTCGTGAGAGATATTCAAGGGAAAT  
TTGTGTTTGTCTATACGACAGTTCCTCAAAAACCTTCATTTTTCTGTTCTGATGCAGATGGGAGCGTTCCTTCC  
ACTGGGGAAGTGAATTCTGAAGGACAGCTTGTCTCTCCGATGATGTTGAAATCATGAAGAAGGGTGTGGAA  
AATCTTTTGTCTCTTCCCAAAGGTTGTTTCTTCAAACTTCTGGTGGGTAAAGGAGTTATGAGCATCCACTTA  
ATGAGCTGAAGCCAGTGCCAAGGGTGGACAGTTCAGGTAACGTCGTGGAGCCAATTTCAAGGTGGACGCTG  
AAGCTCGAAAGGAAAGTTCTGGTATGCCAAGAGTTGGGAGTGCCGCAAATTGGTCTTCAAACCTACTAAGTGC  
ATAATTCGGCTAAGGCCTTTGTTTACTTTGCCTTAGCCTTCTACGCCTTCTTCCATATTTCCATATCTCCATCTT  
TTATTCCTCTAATTTGTGCCTTGTAATGGGTACCTGAGGTATATACTTTACCTTCCGTAATGGGCATGTCCAT  
GAAGTTACAACCTATATCTTGTGAATCTGTTGGCTTAAGTGAAGTGCATACTGGTTACGATGGAATAAGAGTTT  
GTTTTCTAATGCTTTGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1265 EU196733|Capsicum annuum stay green protein (SGR) mRNA, complete cds

AGGATTGTACACAACATTTCTTTTTTATTCTTCCCCTTTTTCTCCTTTTTCTTTTTCTTTTGTTCCTACAAGCCT  
CATATTTCTTCTCCCCTAAGATTCCTCTGTGTTTTTTATCTTTCAAACCGATCACAACCCCTCCCTAATTTCTGG  
AGCTAATCTGTTGGAGAAGATGAGGGTTTTGACTAGTAATTCTTCTCCTCTTCTTGCTCCTTCTTCAAACCCCTTA  
TCAGGATTCTTCTCTCTTCTCTGTAAACGCAAATCCAAGGAGAAAAACACAGAATGGTTCCTATGGCGA  
GATTGTTTGGGCCAGCCATATTTGAAGCTTCGAAGCTAAAGGTTCTGTTTTTAGGGGTGGATGAGAAGAAACA  
TCCAGGCAAATTTCCAAGGACTTATACGCTTACACATAGTGATATTACTTCTAACTTACTCTTGCCATTTCTCA  
ATCCATTAACAATTCTCAGTTACAAGGATGGTATAATTGGCTTCAAAGGGATGAAGTGGTAGCAGAATGGAA  
GAAAGTACAGGGGAAAATGTCCCTTCATGTTTCATTGTCATATCAGTGGTGGCCATTTTCTTCTAGATCTCTGTG  
CTAATCTCCGATACTTCATCTTTCGCAGAGAACTTCTGTGGTGCTGAATGCTTTCGTCCATGGAGATGTGGAC  
TTGTTCAAGAATTACCCAGAGCTACAAGAGGCTATGGTTTGGGTTTATTTCCACTCCAAAATTCGGGAATTCAA  
CAAAGTAGAATGCTGGGGCCCACTAAAGGATCCAGCCCCACCTTCAAGTGGGCTTGATGGGCGGCCCAAATC  
AGATGAGCCCATGTGGGAATTGAGCCGGATGGAGCGGCCCAAACCTTGCCAAGAAGACTGCAATTGTTGCTT  
CCCAACCATCCCTTCCATTTCTGTTCCCTTCAAGAACAGTGAGTTGGAGAGCACGTGATTGATTTTATTTGGCT  
CCCCCTTAATGTAAATAGTTAATATCAATATTTGTTGTTATTATATAATATAACATCCATCCCTATTCCTCCAAT

GTTTTAGTCCTTATATTTTAATTCATTAATCTTTATAGTATCTATGATGTGAAAGTAGGAAAGTATCAAGGAAAT  
GTTCTTTGATGAACTATGACCAAATTTCTCCTTATATTTTG

>trans\_c\_1266 XM\_002889654|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T27G7.21, mRNA

GAACACAGATGGGCGATTCAATTCTCCGAGGAGCTAGAATGGCCGCCGATTAAGCTTAATCAACCGCTCGATT  
TCCAGGCGGAGCCACCGTCCACCATCTTCCTTACCTCAACCTACTTTTTCCGAGCTGGCCCAATGAGAACGT  
CGACATTTCTTCATTCCGCCTACTTCTTGTTTTCCCGTTCGTGGCTTCACCTGTTGACATCCAGGAAATCCATTCT  
TTTTGTCGCGCCCTGTAAATCAAACCCGCGTTCCTCAATTTGCGAGCTAAACCGGACCGGCTGGTTGTATTTT  
GTTATGGGGATTCCGAGAGATCTGTACGGGATGAACAGTCTATTGGGGTCGAAGATTCTGAATGTGACTTTGG  
TGGAGGAGAATGTAGAGCGAAATCGATGGAATGTAGAACTGGGTACCCCTAGTGTTGGATTTCAGCTGCTCC  
CCAAATTGAGCTTGAGCGACAAGGCTTTTTCTTCTCTTGACATTCATTGCCCTAACGACTTCTGTGGCATTACAA  
GCCTTGTCATTGCAGCTGTCCCAACGCTTAATGCAATGCGCAGAGCAGCCATATCACTTTCAAAGCTAGCTGAC  
ACGGCTCGTGAAGAACTTCTGGTACAATGGCTGCCATTAGACTTTCTGGCATGGAGATCAGTGATCTGACTC  
TTGAACTAAGTGATCTAAGCCAGGAAATAGCTGATGGGGTAAACAAATCTGCTCAGGCTGTCCAAGCAGCCG  
AAGCTGGAATTCGCCAGATCGGTGCACTAGCCACCAACAACTATGTCAATGATTCAAGAGAGAGCAAGCCT  
GCCAATTATTTCTTTACAACCGTTGTTGCTGGAGCAGCAAAGAAGACTTCTCATGCCGTTGGCAAAGCTACAC  
GAACCATTATGAAAATGATCTCAGGAGGAGAAAGTGTGGAGAATGATGATGATAATAGTTTAGATAGACTGG  
AAGTTTGACTGGTTCCTTGCTGAAATCGAAATCAGGGTGTAAATATTACACGAGCATATATCATGTACTTGTCA  
ATACGACGATGACCCGAAATACATGTTCCAGACACTTAAAATTTGAAAATCTTTAAACAAAGACATTAACAGCT  
TTAATCTTTTTTCTCCACCTGATTTCCAGGATCTGTATAGGCTTTATCATTTG

>trans\_c\_1267 XM\_002886293|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein S6 family protein,  
mRNA

ATCCATATCTACTTCTTCATTTCAACGATTCCACTATGCTATCTCCTTGTTGCCACTGAATTTGAGTCTGCCCCA  
ATAGCAGAACTCGTTCGAAATAACATGGCCTTCACTTCCACTCTCACCCTACTTCTTCAACTTCTCCTCTCTCCT  
CCAAATCCCCTTCTCTTCCCCCATTACGAATCAAATTTCTTCCCCTTTACCCTCAAACCTCTCCAAACCCCTCTTT  
TCTCCCGATGGAATCGGCTCTGCTTTGGGTATCGGATTGTCCGTAAAAGCGCAAACCTCTTGAATTTTCAGTTT  
GTTCTTCGAAGGTGGGCTCGGAAGTCAGGATGAACCGCCTGCCCTCCAGGAACAGGATTTGCCACTGCCCTC  
GAAGATAAGGAGGAGCCCCAATGCCCTCCTGGACTTCGAAAGTACGAGACTATGGTGGTTTTGAGGCCCGAC  
ATGTCTGAAGACGAGAGACTCGCTTTCACCGAGAAATACGAAGAGTTGCTTGTGCTGGGGGTGCAATGTAT  
GTTGAAGTATTCAACAAAGGGCTCATTCCACTAGCATATAGCATCAAGAAGAAAAACAAAGCTGGTGAAACC  
AACACTTACTTGATGGCATCAATCTCCTTTTCACTACTTCACAAAACCCGAATCAATGGCAGTTCTCGAGGC  
AACGCTTCAAGCAGACGACGATGTTGTTTCGATCGATGAGTTTCAAGGTAAGGAAACGAAAATTCTAAGTATGC  
CTTAGCCTTAAATATCTTGGTGTTTCACGTATCATTTGGACAAATTTTATTCAAAGCAATGGAAAAAGATTGT  
AGTTGCCAGTTTGTGCTTTTCTTGTCAAAATGAGTGCTGCTATTGTGACAACTCTATGGGCCATTTAGGCTTTA  
TCCATAACCATCTGATTGCTGTTCTTTCATCACAGCCTTCCAATGGAAGTACTATTTCAAGTTGGAAAAAAGA  
AAAAAAGAAAGAAAAAAGGAAATATAGATTAGATGTTGATCTTTCATAGCTGGAAAATCCACTTAGTGACTTC  
AGAACATTTTCTTTCTTTAAAAAATAAATGATCCACCAATGACTGTCGTGTTCTATCGATCAGGCAACA  
CACTCCGTTGAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1268 AY534617|Hevea brasiliensis HMG-CoA synthase 2 (HMG52) mRNA, complete cds

ATCTTTCTCTGCCATTCTCAAGGATTTCTCTTCTCTCTCTCTCTCTCAAAATTTTCACTCTCCCATTTCTTCATT  
TGAGCTTCCAGAAATGGCTAACAATGTCGGAATTCTCGCTATAGATATCTACTTCCCTCCTACCTATGTTTCAGCA  
GGAAGCATTGGAAGCTCATGATGGTGCAAGCAAGGGGAAATACACTATTGGGCTTGGACAGGATTGCATGG

CATTCTGTAAGGTTGAAGATGTCATCTCAATGAGCTTGACAGTTGTCAATTCTCTTCTGAAAAGTATGGA  
ATTGATCCGAAACAAATTGGCCGGCTGGAAGTAGGCAGTGAGACTGTTATAGATAAAAGCAAATCAATTAAG  
ACTTTCTGATGCAAATATTTGAGAAGCATGGAAATACCGATATCGAAGGTGTTGATTCAACCAATGCGTGCT  
ATGGGGGTACAGCTGCTCTCTTCAACTGTGTCAACTGGGTAGAGAGCAGCTCCTGGGATGGGCGTTATGGTC  
TCGTGGTGTGCACAGATAGTGCAGTCTACGCTCAAGGACCAGCTCGTCCTACTGGTGGGGCTGCAGCTATTGC  
CATGCTGATAGGACCTGATGCTCCTATTGCTTTTAAAAGCAAGTTGAGGGGAAGCCATATGTCTCACGTTTAT  
GATTTTACAAGCCTAACCTAGCCAGCGAATACCCGGTTGTTGATGGTAAGCTCTCTCAAACATGTTACCTCAT  
GGCCTTGGATTCTGCTACAAACAATTATGTCATAAGTATGAGAACTGGAAGGCAAACAATTTCCATTCTA  
ATGCCGACTATTTGCTATTTTATTCTCCCTATAACAAGCTTGTGCAGAAGAGCTTTGCTCGATTACTCTTTAATG  
ACTTCGAGAGAAATACTAGCTCAATAGACGTAGCTGCTAAAGAAAAGCTGGCCCCATTTTCAGCCTTGTCTAA  
CGATGAAAGTTACCAGAGTCGGGATCTCGAAAAGATAACTCAACAACCTGCAAAGCCTCTTTATGATGCAAAG  
GTCCAACCCTCCACTTTGATACAAAGCAAGTTGGAAACATGTATACTGCCTCTCTACGCAGCATTATATCA  
CTTCTTCAACAAGAATAACTCGCTGGTAGTAAATAGGGGGGTATTGTTT

>trans\_c\_1269 AB010946|Arabidopsis thaliana mRNA for AtRer1B, complete cds

AAGAGTTTTAAATGACGGACCAATTATCTTCCGTTCTCAATGGGTGACCCAATCTTCAATGGTGTCTTCTT  
CATCTTCAATTCCGTCAGTGTAAACAACGTGTTAAACCAATTTGTTTATTGCCTTCTCTATCGTTTCTTAAATTG  
GGTGTGGAACAAATCAAAACAAAATAAGAATATTATTGTAAATTTAGAACAAATTAATATTGCAAAAATCAGA  
GTCCCAAAAACCTCGTAGATCTGCTCGTTTACGCTTCTTACCTTTCCAATCTCCATTTTTTCGATTCAATTGAG  
CTTCAAAGCTTCTCCAAGATAGTGAAGCTTTTAATACTCAATGGACGGGATAGGAGGTGAAGCTGCCTCAG  
GGGCAGGACCTTTGAGCCAGTGGCAGCATGATGTTTCAAGGCTTTATCAATATTATCTGGATAAGATTACTCC  
ACATGCTGTCTACAGATGGATTGGAACCTTTTTATAGTGGCAATTTATGCTTTGAGGGTCTTCTATGTGCAAG  
GGTCTACATTGTTTCTTATGGTCTGGGTATTTATATACTCAATTTATTGATTGGATTCTGTCCCCCTTAGTTGA  
CCCAGAGATGGAAGTTTCAGATGGGCCTTTGCTGCCTACTAAAGGTTTCAGATGAATTCAGGCCATTCAATCGC  
CGACTTCCAGAAATTAAGTTCTGGTACTCTTTTACAAGGCCTTTTGCATTGCCTTTGTTATGACTTTCTTTTCCA  
TATTTGATGTTCCCGTCTTCTGGCCTATTTTACTTTGTTACTGGATTGTCCTTTTGTCTGACAATGAGGCGTCA  
GATTTCTCATATGATCAAGTACAAATACCTACCATTTAGTTTTGAAAAGCAGAAGCATGGTGGCAAGAAACCT  
GCAAGTAGCGTTATCACCAGCGATGATTGATCTGTGGCTTATTATTTACAGCAATTAGTACAAGTACTGAATG  
GAGGGAGAAATTTAGAGACTCGAATGTTACAGTAGCAGAAAATTTTTCCATAAAATTTACTTGTAGTTAAG  
ATTGCATATGGATTTAATCATTAATAATGATGATGCACAGGACATGATTATGCCAATTTCTTTATGATTAAGTGA  
AGAACTGCTGTTGTAAAAA

>trans\_c\_1270 XM\_002873999|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal  
domain-containing protein, mRNA

ATTGTGTTGGAATTCGGGTATCCTATTTCCGAGTTTCTCACAGTCCATCCCTTCCCTCTTCTCCACCATAAAA  
CTTCTTCTCAGGAACCTCAACTGAGTTTGATCCGATCACTTCAATCTTTAAAAGACGATCAATTTGACTCT  
CCAATTCACCGGAGTCTGAAACAGGACGTTGCTATTTATGGGTGAGGCCAATAAATCCACCTCCACCGCCGA  
GGAGGACTTGTTGCTCAAGACTTTCTCGCCGAGGTTAGCGAAGTTGAAAGAGATAACGAAGTTATCAGGAT  
CTTGTCTGCTTCAAATGAACCATTTGAGTATCTGAAGTTACCATTTGACGCATCTCCAGAAGAGGTGAAAA  
GACAATATCGTAAGTTATCATTGCTGGTTCACCCCGATAAATGTAAGCATCCACAATCGAAAGAGGCTTTTGCA  
GCATTGGCAAAAGCCAGCAGCTATTACTTGATGAGCAGGAAAGGGATTATATTCTTAGCCAAGTCAATGCAG  
CAAAAGAAGAACTTCTAGCAAAGAGGAAGAAACATTTGAAAAGAGATACAGCTTCTAAAATAAAGTCATTGG  
TTGAAGAGGGGAAAATATGAGCAACAGTATGAGAGTACAGAAGAATTCAAGCAAGAGCTAAAATTGAAGGTT  
CGAGAAATATTAACAGAACAAGAATGGAGGAGGAGAAAGATGCAGATGAGGATTTCTGAGGAAGAAGGCA



GATTGAAGAAAGATGAAGAAGAAACAAAAGAAATGTGGAAGAAAAAGCGTGAGCATGAGGAGCAGTGGGA  
AGGAACAAGAGAACAAGGGTTTCAAGCTGGAGAGATTTTATGAAGGGTGGAAAGAAGGCTAAGAAAGGA  
GAAACTCGACCTCCAAAGCTGAAGACTGAGGACCCCAACAATCATACGTGCAGCGGCCAGTAAAGCGAGGT  
TAATTGGATCTATTTCAATTTAAATTTGCTCTGCAGCCAAGCTCTGGTGAATTCGAGGGAGACTGGATGTAGG  
CTGACACTAGTATGAAATCTTATGATTAGCCTGTAACTATATAGTTAGAATGCAAATTTTATTTATACAATATC  
AAAGCTGCAAAAATCCTTTTAAGGTTGGTTTTGTTGTTATATAAATAGAGCATTGAAGTAAAAAA

>trans\_c\_1271 NM\_001050373 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0674100 (Os01g0674100)  
mRNA, complete cds

TTCTCAAAGAGCAATATCTTTACCATCATCGCCTCACGTGTACAGGGGTCAAACCTCTGATGGAATTGGGCATT  
CAGCGTACGGGAATGATGAATTAACCTTTAAATGGACTAAAGTTCTTGAATCTTTCTCCTTGAATGACAAACCA  
TTGTTACCTTACCCAGAGTGGAAACATTGATTACTCAGAACTGACAGTTGGAATCCGTATTGGAATTGGGTTTTT  
TGGAGAAGTTTTCCGCGGTATTTGGAATGGAACAGATGTCGCAATCAAAGTTTTCTAGAACAAAGATTTAACT  
CCTGAGAACATTGAGGACTTCTGTAATGAGATATCAATTCTTAGCCGTCTTCGACATCCTAATGTTATACTATTT  
CTGGGGGCATGCACAAAGCCGCCACGCTTATCAATGATCACCGAATACATGGAAATGGGTTCCCTGTATTCTT  
TGATTCATTTGAGTGGTCAGAAAAAAAACCTTAGCTGGCGGAGGAGACTGAAGATGTTGCGTGATATATGCA  
GGGGTTTGATGTGCATACACCGAATGAAAATAGCTCATCAAGACCTGAAAAGTGCAAATTCCTAGTGAACA  
AGCATTGGACAGTTAAGATATGCGATTTTGGACTTTCAAGAATACTGACAGATACTCCAGCAAGAGGGTCTCC  
ATCTGCAGGAACTCCAGAATGGATGGCTCCTGAGCTCTTTCGAAATGAGCCCTTCACTGAAAAGTGTGATATC  
TTCAGCCTGGGGGTCAATTATGTGGGAGCTATGCACGCTAAACAGACCGTGGGAGGGTGTCCACCAGAGCGG  
GTAGTTTATGCTGTTGGCACTGAGGGGTCCCGCTCGAGATTCCCGAAGGCCCGCTTGGCAGGCTTATATCAG  
ATTGTTGGGCAGAACCAAATGAACGGCCAAGCTGCGAAGAGATCCTCTCGCGCTTGCTGGACTGCGAGTACT  
CACTTTCTTGATATGGTTTTATTTGTTTTTGTGTTTTTGTGTTTTTGTGTTTTTGTGTTTTTGTGTTTTTGTG  
TACAGAAAACCTGGTAGAGGTGCTACTTTTGATGTTCTCGGCTCCAATTGGGAACCTTGATGATTTTTCCAAC  
CAATTGATATACAGTTTAAAGGAAAAGAAAAAAAACCTGTTGGTTTTGATCTT

>trans\_c\_1272 AY078946 | *Arabidopsis thaliana* AT4g31110/F6E21\_30 mRNA, complete cds

TTCACAATCTTCTTTACGGTGCTGATTTCAAGAGTTCTGTGCGCGCTCTCCGCCGTCCGATTGACAGTCGGAGG  
ACCATAAAGTTCAACTCCAAGAGAGAATGGTGATTTTAACTACTAAATGGCTTGGGCAAGGAACAGGGTCGTT  
TCCATTGCTTACTGCTCACAAGTTTAGTTACCGAGGAAGAAATTTGAAGCGATTAAGCCATCCAAGGCCACC  
AATTCTGAGACTAATACCAAGAAGGCAAACCTTATCTGTCAAAAGAAGGGAGAAGATCAGACTGCCTATTTATA  
GTGGCGAAGGCAGGACGTATCATATCAGAGAATTCCTGAATCACCTTCAGGAATTGAAGCAATGCTTAACAA  
AAATGCCTTGAAAAGTTTCCAGTTACTTGATGCCAACACATACAGATGCACTCTGCCTAAATTGCAACTTTTGA  
ACTTTGAAGCTGCACCTACATTGGATTTACGATTGATCCCGACAGATGAGGATTTTACCGTTGAGATGCTTTCG  
TGCAAGGTGAGGAGTCTAGTCACTGAATGAGTTGGCAGTTTGAAGGTTGGAATTGGTGGAAACGCCAAAACG  
ACCATTTTTCAGCCATGATGATTAATCATTTGACATGGGACACAATCGATTCAAATTCATATCTGGAAGTTGAT  
GTGAAGTTGAATTTGTCTCTGGAGATTTATACACTCCCTTCACCTAATGCCTACTGCCGCAGTCGAGAATCC  
AGGGAATTTGATGCTACAAGCTCTCTTGGACAACCTTGTGCCTCTACTGCTGCGGCAATTAGTGCAAGATTATG  
AAAAATGGATTAATCAGCAGCTAGATCATTCTCAACTCTCATCTCATGATTCACTGTGAAGTTAAACGATAGC  
CTTCCATTTTCAAGCTACCAGAAAAGCTAGAAGTTAACTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGA  
TTGTAAAGGGTGTTTTAACATTACATTTCTACATTGTACATTGTTTAGGCTATTCTACAAAAGGGAAGTAAAG  
TAGTCGATTTAAGGCCACGTGAGAGTGAAGTTTAGAGACCTTGTTTAGCTTGCAACAAGAAAGTTAATGAAAA  
ATATAGTTTGATGTAAAGTTTTTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1273 NM\_100830|Arabidopsis thaliana emp24/gp25L/p24 family protein (AT1G09580)  
mRNA, complete cds

CTATAAACACTTTATAAAAAACATCTAACCAAGAGGTAAGTGTTTGGTTTTAAATTCATTTAGAAGAAAATGTTT  
AAAAGGTTCTTCAAAAACATTTTCTTAAAAAAACAAACAAACCCACCCTTAATTGTTTGTGAAAGAGAATTTGG  
AGGAACAAAACAATCCGAAGAGAAAAGTCGGGAGAAATCAGATTACCAAAGTCATTGGCTTCTTCTTCTTCTC  
TTCTACTCTTCCATTTCTAATCTCTGATCTGAAACCACCAATCGGATTCCATTTGCGATTTCTAGATTCGGAAAC  
ATCATGCGCCGGGAAGTTGTCTTGCCGTTGTTCTCTCTGTTTCTTCGCCACAGATCTTCTTGAAGTGTCTCAT  
TCAATCTGGTTGAACTTGCTCCATCTGGAACCAAGTGCGTCTCCGAGGAAATCCAGACCAACGTTGTCGTTCT  
TGCCGATTATGTCGTCGTCGCTGATCATTCTCACTCCCCACCTTCTCTATCAAGGTGACATCTCCATATGGGAA  
CAATCTTCATCACTCGGAGAATGTAACACACGGCCAGTTCGCATTTACGACCACTGAGGCTGGTAATTATCTAG  
TATGTTTCTGGTTGTCTGACTACAAACATGAAGCTGGCAATGAGATAAGTGTC AACCTTGATTGGAGAACTGG  
TATTGCAGCCAAGGATTGGGAATCAGTTGCAAAAAAAGAGAAGATTGAGGGTGTTGAACTCGAGCTGAGGA  
AACTGGAGGGGAGCAGTTGAAGCTATTCATGAAAATCTACTCTATCTCAAGGACAGAGAAGCAGATATGAGGA  
CGGTGAGCGAGAGGACAAATGCACGAGTTGCGTGGTATAGCCTCATGTCCTTGGGTGTGTGCATTGTTGCTTC  
TACTTTACAAATATTGTAAGCGATTCTTTTCAAGAAAAAACTTATTTAGAGAGTCTTCTACTCATGTTT  
CAGAAAGAGATTGTTAACTTATTTAGTTTTATTTCTTTATACAAAGTAGAGAAGTTTTGACACGAACTGCAAGC  
CATGCAAAGCTTGTTTATAATTTTTATTCCAGATTTTTGTGTTTTCTTTTCTCTGTTGCTTTGATAGAATTTAGT  
GAGTTCTGCTTGTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1274 AY158153|Citrus x paradisi type I proteinase inhibitor-like protein mRNA, complete  
cds

ACCCAAATCAAAATTTAAAGGACAGAAAGAGTCTTCCATACCATACACATATCTACCCAACCTTCAACATGGCT  
GAAGAATCTGCTCAAAGAAAACTCGATGGCCAGAGCTTGTTTGTAGAAATTTCTACTGCTGCTAGGATAA  
TAGAAAAAGAGAATCCCGATGTGAAGGCCATCAAATTCTAGCTGATAGTCCAGAAATTGAGAATTTTGATCC  
TAGTCGAGTTTGGGTTGATTGCAATGTAGAAGACAGGGTTGTTAAAGTGCCCAGCGTCGGTTAAAGATTGGA  
TGGTGTTTATAAGGTCAATGATATGTATAAAGTCTATATGCATTATGTCCAGGTGAATTATATGCTTAATTAAG  
TCATTCCAATATTGTAATAAAGTGGTATTTTTACCATTTC AACTCTCATTCAAGTGTGTTTATTTGTAATAAAT  
TGTTGAGTTAATTGTTCCAATAAACATCAACAAAGACCTATCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATAACCCCCCACCCTGGG  
GGGGCCCCGCCCCCTTTCCCCCTAAAGGGGTTTAAATAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTTAAACCCCCG  
GGGGGGAAAAACCCCGGTTTCCCCATTTTATCCCTTTGAAAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGAAAAA  
AAAAAAAACCCCCCCCCCATTTCCCCCCCCCAAAATTTCCCCCCCCAAAAGGGAAGGGAACCCCCCTTAAC  
CCCCATTAAAGCCCGGGGGGGGGGGGGTTTCCCCAAGGGGGCCCCCTTTTTTTTTCCCCCCCCTAACCCCCC  
CCTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTCCCCCTTTTCCCGTTTTTCCCCCAAAAATTA AAAACGGGGGCCCCCTT  
TTGGGTTCCAAATTTTGTGTTTCCCGCCCCCCCCCCCCCAAAACTTTTAAAGGGGGGGGGTTCCCATGGGGC  
CCCCCCCCCAAAAAAGTTTTTTCCCCCTTTTACATTGGAACCCCCTTTT

>trans\_c\_1275 AY050331|Arabidopsis thaliana At1g67700/F12A21\_30 mRNA, complete cds

CTCATTTCCAATTACAATATGCTCATATCCACTTCAAACCTTAGCTCACATCAAATCCCATCGCAAAAATGGACGT  
CGCCATGTCTCTCAACGCTCTGGTTCGACTTCCCCTTTCCAATTCCAAGCTACACGAAGATGGGTTGGTCCGCC  
ACTCTCTCTTCTGCAAGGACGATGCACAAGCCTGAGCACACTTATCGCCGGGCTTTGTCGTCGAAGCCAAA  
GGCAAAAAAGGGATGCAATCTCGTCTGTCTCAAAGACCTGGCCCTCCTCCGCTGCCCAAGATTGAAGACGATG  
GCAACCCTAAATTCGTTATCTTCATCCGTATGGCCAATGTCTATTTATGGTACCCGCTGAGTCTTATAAATGGTG

GCACAACCGCCAAAATCATGGTTGCTGCAAAAGATAATTTTCTTGGGAAATATATCTATAAAGATACTCTGGC  
AAGGAACCTTGCCGCTGTTATTTACCGTGATGAAAAGGAGATACAAAAGACGGCATTAAACAGTTTCGTGTG  
TTGCGGACAGCAACAGAGTTTACAGATATGGCTACAAGCTTGTGAAAATGGCAATTTGAGATCCGCACTTTCTA  
CCACAGATGTAATTGAGCTTCCAACCTCAAGACCAGCTGAAGACAGTTCTCGATAAAGTTAAAGACTTCTTTGG  
AGATGCAAAGGAATCATTTGGCAAACCTCACTGCACTAGGCTCACCCGAAGGCGAAGAGGCAGACGAGAACTC  
TACAGAGAAGGCCAAGGTTAAACTTGAGAGTGAAGTGGTCATTTTACCGGAAAGGGCAGCAGCACAGAGA  
ACATTTAAACTCGAGCCTTGGAAGGTACATAGAAGGGTGGAGTAGCAAGGCTTTTTTGGCATCCAAAATGTAC  
GTAGCTGAAAAATTAGGGAGCTTTACACGTTATTTTCGATGAAGATACGGCAGGGTATTGTACACAAGTTTCA  
CTGATGGTTTTTTGTTCACAAATCTTGTTTTCTTTTCTGATATGCTTCCTTCATTTATTTGAATGGAAAGACACT  
CTTCATTCTTTCACAAAAAATTAATAAATTAAGAATCAAAAGATCAATAAACGA  
CCTTCCAATTATACATTTGGTTTACACCAATTGAACTCCTCCACAACCTAAATT

>trans\_c\_1276 HM802936|Carica papaya cultivar Solo eukaryotic translation initiation factor 4G  
(eIF4G) mRNA, complete cds

TCAAATTATGGGAATAAGGATTTGAGACATTCAAGTCGGAGCTTTGATAGATCTCCTCCAATTCGCCTGCCAC  
ACCACCGGGGCCAGCTTTGACCCCACTCTTCCATCTGAAAAAGTACTGTCTGAAGATCGGGTACAACAATTG  
TCATTGACAGCAATCAAGGAGTTTTACAGTGCCAGAGATGAGAAGGAAGTGGCTTTGTGCATTAAAGAGTTG  
AACTCTCCAGCCTTCCATCCAACCATGATCAGTCTGTGGGTACGGACGTGTTGAGAGGACGAATTTGGAAA  
GGGATCTATTGGCCAACTTGTTGTTAACCTCTCGAGGCCTAACAATGGCACATTGAACCAGGCTCATCTTGTT  
AAAGGGTTTGAAGCAGTTCTCGGCAATTTAGAAGATTCTGTAAATGACGCCCCAAGAGCTCCAGAATATTTGG  
GTCAAATTCTTGGGAAAGTGATCACAGAAAGCATGGTTTCTTAAAGAGAAGTGGCAGATTTGATCCGTCAAGG  
TGGAGAGGTACCTGGGAACCTTCTTCAATCCGGGCTTGGAGCTGATGTTCTTGGCAACATTTTGAAAACAATC  
AAAACAGAGAAAGGCGAAGGGTTCTTAACCGATCTGCGCACAACCTCGAATTTGCGGTTGGAGACGTTTCTG  
CCTCCCGACCCTGTGAAATCAAGAGTGTTAGAGGAATTTATTTAGGAGTAGTCAATCAAATTTGCTGCTGCTG  
TAATTTTGTAGATGGAATCGTGATCATCTCTCCAATGCTTTTTTAGTCTACTTAAATTAATTTGCAAAAAAG  
TAATTTATATATTTTCTTTTGAGGGTTGGGTGGTAAATTTATTATAATTGGGGTTTATCCATCATCATCTTTT  
AACGTAATTAATTAACAATGCCTTCTGAAATTATTATTATAGAATAGGTTTCAGGTTTCAGCTGAGAGTACCAA  
GAAAACATTGAATTTTCTCTCTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTATGGTTCTTCTGCTTTTGAATGTTG  
TGGAGTGCTCGTTTAGTTGTTTTCTTTCTTTCTTTGAATCATGTATAGCAAAGTTAATAAAAGCCATGAGCTGT  
CACGATTTATTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1277 AB236868|Panax ginseng mRNA for ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase small subunit, complete cds

GACACTACCATTTACAGTGCAATGCCTCTCAGACTCAACAGCAAGAGCTTCTTCAAACCTACTCTACTAGCTATT  
AGTAAATCCTTCTAACCCTCGGGAAAAAAAAAAAAAGAGGCATCAAATGGCTTCATCCATTCTCTCATCCGCCGC  
TGTTGCCTCTGTCAACAGTGCTTCCCCTGCTCAAGCTAGCATGGTGGCACCATTCACTGGCCTCAAATCCGCCG  
CTGCTTTCCCGTCACTCGCAAGAACAACGACATCACCACCTTGGCTAGCAATGGTGGAAGAGTTCAGTGCAT  
GAAGGTGTGGCCACCACTTGGATTGAAGAAGTTCGAGACTCTTTCTTACCTTCCTGATATGAGTAACGAGCAA  
TTGGGAAAGGAAGTTGACTACCTTCTCAGGAAGGGATGGATTCCCTGCATTGAATTCGACATTCACAGTGGAT  
TCGTTTACCGTGAGAACCACAGGTCACCAGGATACTACGATGGACGCTACTGGACCATGTGGAAGCTGCCCAT  
ACCTGGCTGCACCGATTTCATCTCAGGTGGTTAACGAGATTGAGGAGGCCAAGAAGGAATACCCGACGCATA  
CATCAGGGTTATTGGCTTTGACAACGTCCGTCAAGTGCAGTGCATCAGTTTCATCGCCTACAAGCCCCCAAGAT  
TCTACACATCTCCTTAAATTCATATGCTGCGGCTTTCTTGAGGCGAATTTCAACCATTTGCCTTTTTTAAAGCTT  
CATCACTTGGGTGGTTTCAACCAATTTCCCTCCTTTAATTTTTTTTCTTACTCTTTTTTTCTTATTTTTCCATTTT

ACGGGGGTTGGGTTGTCTGGTGAATCCCACTATGTTTATTTCCCGACTTTCCAATTGAATTGGAATAAATGA  
TGCTTTGATTTGTTCTTGAATTATCCTATCAATCAATCGCTCCTATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAAATTTATCAAACCCCCCAACCCGGGGGGGGCCCCGGA  
CCCCATTTCCCCCTAAAGGGAGTCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCC

>trans\_c\_1278 AY104081|Zea mays PCO086223 mRNA sequence

ACGAAACCCTAAAAAATAGAAGATTCATCGTCATCCCAATCGAGGGTTTCAAGTGTGAAGAACCGAAGCTTT  
ATCACCATCATCATCTCATTAGTTCGCCAAAACCTGTTTTCAATTTAGCAGTATAAACTGCAACGAAGTA  
GAAATCTTATTCTTTACCTAATCGGCGGCGGAATCCGGTGAATGGGGAGAGAACTCCAAAAGCAACCTCA  
GCAAGAGATGGCCTCCGCCGTGGAGCAGTTGCTCGCCGTGAATCCTTACAATCCCGACATTCTCCCCGATCTC  
GAAAACTACGTAAACGAGCAGGTCTCGTCAGAAACGTACAGTTTAGATGCCAATCTATGCCTTCTTCGTCTCTA  
CCAGTTCGAGCCAGAGAGAATGAGCACCCAAATTGTGGCTCGCATTCTGGTGAAGGCTCTGATGGCAATGCC  
GGCTCCGGATTTACGCTGTGTCTCTTTTAATTCCAGAACGTGTGCAAATGGAGGATCAATTCAAGACTTTGA  
TTATACTTTCCCACTATTTGGAGACTGGAAAGTTCCGTCAATTCTGGGATGAAGCTGCCAAGAACCGTCACATA  
GTTGAAGCTGTGCCAGGTTTTGAGCAAGCAATTCAAGCTTATGCTGTCCATGTTCTTTCTTAACGTATCAAAA  
GGTTCCTAGATCTGTGCTTGCGGAGGCAATCAATATCGAGGGCCTGTCGTTGGACAAATTCCTTGAGCACCAA  
GTTGCAAACTCTGGCTGGATTCTTGAGAAAGGTGGGAAGGGCCAACTTATTGTTATACCACCCAACGAATTCA  
ACCATCCTGAAGTGAAGAAGAAATCCTCCGATAGCATTCCCTTGGATCACATTACTCGCATCTTTCCGATTCTTG  
GCTAACTAACCCGGTCACCGGTAATAATGTTGTTACATCTATACATTCCGAATTTGTTGCGGTTCTTTCTTTTT  
TGGGACTACTGTGAGGCTGCTGCTATATTATTGTCCAATTTCCATCTATGCCATAGAATGAAGAGATTACCTC  
GTAGGGCAGTTAGTCTGATGGTTATATTTTGTACTTCATCATAACATTTTATGGGTCATAGGTCATGAAGGCAT  
ACTGAGGTGATGAGACGAGGCGCTTGTATGTAGCGTATGGCTCTCCT

>trans\_c\_1279 NM\_001048652|Oryza sativa Japonica Group Os01g0166700 (Os01g0166700)  
mRNA, complete cds

AAAACTGAAGTATAATAATTAGATATCGGGAAGAGAGAGATTGAATTTAAATTGAAAATTGCAATTTTTCAA  
ACCAATTGTTGAAGAGGAATTCATTCTATCGTCGACGAAGAAGGGAGAATCATAGCCTGGCTGTCTAACCGAA  
GGCATCAGGCGCTATGGATTGAGATTTGCAATTGTTTTCTTCTGTGCTGAGTGTTGCTGGGGTTGTGATG  
CTAGAACTTAGCGTCATTTGATTCTGAGTTAAGTTACCTGGAGCAAGAGAAGGATGTTGAGGCTTTATCTGA  
AGCTTCAGCAATCCAAAGATATGTACACTTTGTGAGAGCTTGATCAGTCAGGCAGTTGAATACTTTGCAGAT  
AACCAGACCCAGAGTGAGATTATTGGTCTTCTCCGGCAAACATGCGGTGTGGCGGGCGTGTTCAAGGAGGAG  
TGCATCAGTCTGGTGGACAGCTATGTGCCTCTCTTCTCTCAGAGATTTCTCAATTGAACCTTCTAGCATCTGC  
CAATCAGCCCACTTTTGCAGCAAGTTACTATAATCTCCTCGCTGTTTCAGGACCATAATTGTGAATTCTGTAC  
CAGACTATTTCAAAAATATTGGATAAGTTGAAAGATCCTGACACACAGATCGAGATACTTCAGACACTTCTAA  
GCTTGTGTGACTCTATTAATTACCGCGTGAAAGAGTGCAAGAAATTGGTATTTGAATATGGGCCTCTGATCCTT  
GCCAACTCGGAGAAAATTCTGGAACAAACAGATATTTGCAAAGCAATACACGCTTGTCAGCAAAAACCTCTTG  
GTGACAACGCTGTATCATCTGTTGGAAGTGTGCCTTCACTTGCCGACGCCTGAACTCGCGCACCAAGTGTACTAC  
CAGGGATCTACATATATGGTGTATGAAAGAAAATGGGTAAGAAAATGACATTTTGTTGCGTCTCTGTCTGTG  
TTCATGAATCTGATATGATACAATCTTTGTCCATGGATGGTCTGTGTAAACATGTACATTGATATGTGGGTATA  
TATGATTGGCTGTTGCATTGTGAGTAAATGATTAAAAGATGCTTTGTTGGTAGCTGTTCAATTTGAATTTTG  
ATGTTGACTTTGCTTGAGATGGAAGTGGAACTATTGTTGATAATGCTTTG

>trans\_c\_1280 NM\_104013|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein  
(AT1G51350) mRNA, complete cds

CGTGATCCACTCGTTTGTGGTGAAGTTTTGCAGAGTGATAACAGTCAGCTTCGAGTTGCTGCTATCTGGGCA  
ATAATAAATCTTACTTTGCCTTCAAGTCCTCGTGCCTAGATCGTGTACAAAGCTAAGGAATGCTGGTATTAT  
TTCTCAAATAAAGAATATGGTCAATGATCCGTGCCTGGACGTAAAGCTCCGTGTGAGAACAGTGCTTGGACAG  
CTAATGGCTTTCCGGTGATGGTATTACATTATAAATTTCCCATCCTCAAAACCCAAGAGAAGAAGTGCGGTGCT  
AGCAGTTTTGTTTTTCATCCACCGTTCTGTAGGATATTGTTGAGCTTTTTGTTGGCGGCTTTGATCCATCTGGAG  
CATGAAGGCTTTTCTCGTTTTCCAGAATATATTCCACGGGCGGTTCTTGCCGTACAGGTTAATCATAAAAATC  
TTCATTTTTGGATGCATACCAGCCTCTATTGGTGGAAATTTTGATCTCTTTTTCTAAAATTCTCTTTTTTTTTCTC  
CTGTCACATGGTCATATCATATGATAGTTTGGCTTGAAAGTGTAATATAAGACTCGTAAATATTACCTATAAAA  
AACTTCACTATTCAATATTCATCATGTAATCTGAATTGCTTTCTTTGGTGGAGTTTAGAATATAGACAAAGTT  
GCCTCTTTCATACCCTGCTCCAGCGGTCACTAAGACCAAGAGGCATGCTTCTTCTGATAAACATATACTGAA  
GCTATGTTATGGAAAAACACCCCAAACCAATGGATGATTGTTTCGGTAAATTTTACCTTTTCAGGGATGGCAG  
ATATTATTTGAGCAAATTCATGCAGCTGTACCCTTCTTTTTTTTTTTTTTAATATCCGTAAGTGTCTAAGCTAG  
CTTAAATCAATTCATACAGTTGTCTCTACAACATTTAGGTGTCAAGGTAACATTTAGGAAATTAATTCCTAGTT  
AGGGGGCTAACAAATGATGATTCAAATGCCCCCTTCTTCAAAGTAGTTATTGTTATGATCCTCAATCTATTACT  
ATACTTAATTTTCTATTAGTTTGTGTTGCTAGTTAAATTTACATGGGTTCAATCATAGTTAATGAATAGGA  
TAAAGAATGCACCGAGGCCATTTTACATAAAGAAAT

>trans\_c\_1281 AY054493|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g42570; K16E1.4) mRNA,  
complete cds

TTTAATGCTTCAGCTCTCGTGAGGTTCTGTTCTCTGTTCAAGTACGCCCACCTTCTTCCATTGCTTCCACTC  
CACAGCCCATTTCATGATCTTTGGCCATACCCTTTTTCTCCCTCCATCATTTTTACACCTTCCCTCTCATAAATTC  
TACCCCAAGATCCAAAATTTCAAATCCTGAATCTCATCTTCATTCTCTCAAATGATTCAGCTATTGTTCACTGT  
GATTATATCGGAGATGGTTCTGATTTTGCTTTTTCTTCAAACCCCTTTGAGGAAGCTTGTGATCTTGGCCGT  
CGATCGGATGAAGCGCGGTCTGTTCTATTATGGTCAAGACCGTCTGCTGGAAGTGTCTTATTGTTTTGCTTT  
CCAGTGTTTACAGTATGGTTACGATCCAGAAGCGTTGGATCGATGATGGTGCCATTAATCCCACCGATCAGGT  
TCTCATGGTCAAGCATCTACTTGAGGCCACGCTTATGGGGGGCTCTATTCTTGGCACTTATGATTGATAGAT  
TACATCATTATATGAGGGAGTTGCGTCTACGGAGAAAAGGCATGGAAGCTATCAAAAAGCAAAGCCGAGCGT  
TGGAGGATGGGAAAGTTAGCAAGTCGGAGGAGATCAAAGCATTGGAAGAAGAGAGGACCACCCTGGAGAC  
AAAACCTCAAGCAATTGGAATCGGAGCTTGATTCAAAAACAAAAGATGTAACAGCTTCAGAAGCCAATGTAGTC  
GCTTTAAGGAAGCAATCTGAAGGATTACTCTCGAGTACGACCGTTTACTTGAAGAAAACCAGAACCTTCGGG  
GGCAATTACAATCTGTGGAGCGCAGATTGTCTCGATCAGGAAGCAAGAAAAATTCCTAAGGAACCTCCACATA  
GCTTAGTAACGAATCTCACTTCTTCAAGTTTTGCGCTTCGATTTCCCTCATACTGTTTAAGATCTGGGTATTCC  
ATGATGGGTTGGTGATGGCTGTTTACTTCTTATGTATGCACAATGGCAAGAGAAGAAGATAAGGTTTTGGCTT  
CTTGTGTCTGATTAAAGTAGGAAGGTAAAGCAGTGAAACAAGAATGAATTCTACTGAAAAACAAAATTGTGAT  
AAATTCAAGTTTGTAATAGAGAACACTTTCGCTTCTGGCATTCTTCTG

>trans\_c\_1282 X58577|P.crispum CPRF2 mRNA for DNA-binding protein; bZIP type

TCGAAAATGGTTCGGAGTAGTTCTGAACGATATCGTGTGTTTTGAAGACTCAGCTTGATATGGCTTGCCTG  
CTGTGGCTCTGTGCGGGGCTGCTTCTTGGAGCCCAAAGGTCCAGTTCAGCCAGCCGATACCGGGGGCAAAC  
ATCGAATGCATTCCAATTTGGCATGCAAGCTCCGGGCCAAGGTTCTGATCGTGGCACTTCAACAAAAGAAAGT  
GAGGTTTCTGGTAGTCCCCTTGAATTCCATCCTTACCTGCAATGCCTAAGAAACCAGGGGTACAACCTGCTCA  
AACAACAAGTGGATCATCCAGAGATGAGTCTGACGATGATGATCTTGAAGGAGACATTGAAAACATTGAGAA  
TATGGATCCTGCTGATGCAAGACGCGCTAGGAGGATGTTGTCAAATAGAGAATCAGCAAGACGCTCCAGACG  
ACGAAAACAAGCACACTTGAATGAACCTTGAGACACAGGTTGGTCAACTTAGGGTTGAACACTCTACTTTGTTA

AAGCGTCTCTCAGATGTAAATCAAAAGTACGACGATGCTGCTGTTGACAACAGAATTTTGAAAGCTGATATCG  
AGACTCTAAGAGCTAAGGTGAAAATGGCTGAAGAAACAGTGAAGAGTAACAGGAGTGAATCCACTGCTT  
GTTGCAATGTCGACAGACCCAAATGCCATTTGTCAATAGTAACCAAATGCCTATGCAAACCAACTCAATTCTT  
CCATCAAAACATGTCTGCATTTGCAAACAGTCCCCCAAATCACCAGAATTTGGAAGTTCTGTGCCACCTAATC  
CTCCTACCATTCAACATGTTGGAAGATCACACAATGACGTGGCAACCGAAATGACTGATTTGCCCTCTGTCCAT  
ATAGATCACGTGCAGAAACAACCCATGCATGCCCCAATGTCAGGTTGGGATGCAGAACCTTCACATGCAACCC  
CCAACCACAAGAAGAATTGAACCTGTTCTTTTGTACCAATTTTTCTTCTCTTTTATTATTATCAAGGGACTAATA  
AGAAATGAAAAATACTCTTCTTACCTATCATTTTCATTTATCTCTCCACTACTTTGTAATAAGACTTGGATCTTA  
CTTGGTTAAAGTAGGTATTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1283 XM\_002324294|Populus trichocarpa chorismate mutase (CM2), mRNA

AATTCACCGTTTCAGAGCTTTTCCCGTGTCTTCTTCCCCACAGCCACAAGTTTTCGAGCGCTGACATTTATCGT  
AATTCTCTCGTATTTTCGATCTTCTTTGACTTGCAGAGCAAATTAGCTAGGGAGTTGAATTGAATCGAGCAGAGA  
AGCTATGGCCAATGTTAATTGTAACCCGAATTCGCTTCGGATACATTGACACTTGATGGGATTAGAGATTCTT  
TGATAAGACAGGAGGATTCAATTGTTTTTAGTCTCATTGAGAGAGCTAGGTTCCCTCTCAATGGGAAGATGTA  
CCTCCATAATCATGCTTCAATTCCTGGATTTTCTGGTCTTTGGTTGAGTTCATTGTGAGAGAACTGAGGCCG  
TTCAAGCTAAGGCTGGTAGATATGAGAATCCTGAAGAAAATCCGTTCTTCCAGAAAATTTGCCTCGTCTTTG  
GCGCACCCCTCACAAATATCCAAAGGTTTTGCATCCTTCAGGCGCTTCAATTAATATGAACAAAGCCATAGGGG  
ATTTCTACTTCAAAAATTCTTACCATTGTTGGTTGCTGATGGCGATGATGGAAATTATGCAGCAACTGCTGCC  
AGTGATCTTGCTTGTTCAGGCACTTTCAAGGAGGATTCACTGTGGAAAATACGTAGCTGAGGTGAAATTA  
GGGACGCCCCCAATGAATACGAGGGTCCAATTCGTTCTCAGGAAAGAGACACTTTGATGAAGCTATTAACATT  
TGAGGCAGTGGAAAGAGCAGGTGAAGAAGAGAGTAGAGAAGAAGGCTATGGTGTTTGGGCAAGAAGTAACC  
CTCAACAACACAAGTGGAGGAGGAAAGTATAAGATCGATCCATCCCTTGCCTCTCGCTTTACGACAATTGGG  
TAATGCCACTCACTAAGGAAGTTGAAGTCGAATACCTTTACGTCTGCTTGAATGAATCTATCTAATAATTATAT  
GCAATGACCAAAACGAGCAAGGATTCACAAAGTTTATAGGTGTTATCGTCTGATCATTTATATCCCTTTTTTGA  
AATCTCAATGTCGTCATCTTTTGAATGACGATGGAAGTAATTGACTCGAAGATTTGATCCTAAACTTGTGT  
TAAAAGTTTAATGATGCTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1284 AJ697696|Nicotiana benthamiana mRNA for ALY protein (ALY617 allele)

TCTTAGGTCTTTATATCGACTAAGAAAATCGGCCTCCATCGCCAAAGCTCTCTGCCCAAACCATTTACCGTCGC  
GGAATCTCCCAAACCTAACTTCCCTTTTTCTTCTTAGTCTTCTTTTTCGATTACTTCCTTCACTGTTTTCGTCCA  
ATTTCCCTTCAACCATGGCCGCTCCTTTGGACATGAGTCTTGACGATATCATAAAGAACAACAAGAAATCCAGA  
TCCGGAATTCGAGAGGACGCGGAAGAGGTTCTGGACCTGGTCCCCTCGTCGATTTCCCAATCGCGCCGCTA  
ACCGCACACCTTATTCCGCTCCAAGGCGCCGAGACGACGTGGCAACATGATATGTTGCGCGATCCGAGTTC  
TGGATTCATTGGGCAAGGTGGGCGAGCTTCTGCTATTCAGACTGGGACTAAGCTTTATATATCTAATTTAGATT  
ACGGTGTTTCTAACGAAGATATTAAGGAGCTTTTTCTGAAGTCGGTGATATGAAACGTCACGGAATCCATTAT  
GACAAAAGTGGGAGATCCAAGGGAACAGCGGAAGTAGTTTTCTCACGACGACTAGATGCTGTTGCGGCTGTC  
AAGAAGTACAACAACGTTTCACTTATGATGGAAAACCAATGAAGATAGAGATCGTTGGAATAATATTTCCACGC  
CTGCTGTTGGTCTACCGCTGCCGTGAACCCTTTCGAAAATTCAAATGGGGCTCCGAGAAGGCAGCAAGGTAG  
GGGTGGTCCGCCATCACGCAACGTGGTCTGTTTGGAAAGGGGCGTGGGCGGGGAAGAGGCCCAAGT  
GAAAAGGTTTCTGCTGAAGATCTTGATGCCGACTTGGAAGATATCATGCTGAGTCTATGCAGATAAATTAGT  
TGGTTCTTATATAGATGCTTTTGGTTCAACGACCACGATCTGTTCTCTGTATCACCACCATTGTCTAACTTGGC  
AGAAAAGGGCTATAGTTTTTCCCTAAATTGGTTTGAATTTCTTACAGCTTTTGGGCTTTCTATTGTTAGATTTT

GACTTCAGCACGGTAATGTAATTGATGAACAGTAGTCAGTGTGTAAGTCTGCTTTCATTATTAAGTCCTTCTGT  
TTCATTTAATGAGTTGGGAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1285 Y10804|N.tabaccum mRNA for ubiquitin activating enzyme E1

GGATTGCTGGAGAAGACACCTACCGATGTGAATGCTTATCTATCTAATCCCAATGAATATACTTCTGCAATGAT  
GAATGCTGGTGATGCTCAGTCTAGGGATACTTTGGAGCGAATTCTTGAGTGTCTTGATAGAGAAAGATGCGA  
GACATTTGAAGACTGCATTACATGGGCTCGTTTGAAGTTGAAGATTATTTGCCAACCGTGTAAGCAGTTG  
ATATACACATTTCTGAAGATGCTCAAACAGTAATGGGGCTCCATTCTGGTCTGCTCAAAGAGATTTCTCA  
TCCACTGCAGTTTTCACTTCTGATCAAAGTACCTTCAGTTCGTTTTGGCGGCTGCTATATTAAGAGCGGAGT  
CATATGCCATTCCAGTTCCTGACTGGGTAAAGAACCCAGGAAATTGGCCGATGCAATTGACAGAGTTATAGT  
ACCAGATTTTATGCCCAAAAAAGATGCCAAGATAGTGACTGATGAGAAGGCAACCAAGTCTATCTACAGCATCT  
GTTGATGATGCTGCCGTCATTCATGACCTAGCAGGCAAATTGGAGGAACTCGCAGGAAGCTACCAGAGGGA  
TTCAGGATGAAACCAATCCAGTTCGAGAAGGATGATGATTCAAATTTCCATATGGATCTCATAGCTGGGCTTG  
CTAACATGAGAGCGAGGAATTACAGCATTCTGAAGTAGATAAGTTGAAAGCCAAGTTTATCGCTGGAAGGA  
TCATCCCTGCCATTGCAACCTCGACTGCAATGGCAACAGGTCTCGTCTGCCTTGAAGTGTATAAAGTTCTTGAT  
GGCGGCCACAAGGTGGAGGACTACCGCAACACATTTGCCAACCTTGCAATGCCTTTATTTCTATGGCTGAGC  
CAGTGCCACCGAAGGTGATTAAGCACCGGGACATGAGCTGGACTGTCTGGGACAGATGGATCATCAAAGATA  
ACCCTACTCTCAGAGAACTTATTGATTGGTTGAAAAACAAGGGATTGAATGCCTACAGCATCTCATGTGGTAG  
CTGTCTTCTGTACAATAGCATGTTCCCTCGACACAGAGATCGAATGGACAAGAAGGTAGTCGACTTAGCTCGT  
GACGTTGCAAAGGTGGAGCTTCTCTGTATCGTCGACATTTGGATGTTGTTGTGGCATG

>trans\_c\_1286 NM\_122974|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT5G35830) mRNA,  
complete cds

TGTAGGAGGAGAAAGCTGCTAAGAAAGAAGAGATGAGAAAGTCGAAGAGTTTCCCTTCAATTCCAATTCAAA  
GTGGTTTAAGCCTAACTACTACTACTACATCTTCACATCATGAGCAAGTAGAGATTGTTGTTGAAGGCCAACCC  
ATTATTCCTCCCCTGTCTACAGCGGCTGACGACTCCCAATTTCCACCCACTGCTGCTGATCAGTTAACATTGTGC  
AATACCACGGAGCCGGATAGCCAGACAATAAATGGTGCAGTAGCAGATAATCCTGATCTAAAAGCCAAGGCT  
CCAAGTTTTGGTAGTATTATATATCACGAATTCAGAAAAAGCTTACTACATCAAGCTGCATTGGGCGGAAATT  
GGGGAATGGTTGAATACTTGTTAACGAAACAAGAGTTATGGGGAACATTTAGTGTAATTGATTCAATAACAA  
GAGATAAGGAGAACCTTCTTCACATTTCTGCTGGATCAAAACATAGTGGTTTTGTAGAAAAGTTGATGGAGAA  
AATGAGTTCAGATGAGGTGACATTGAAAAACAACATGGAAACACTGCCCTTTGCTTTGCTGCTACATCAGGA  
GTTGTCAGAAATGCTGAGTTAATGGTGAAAAAGAACTCTGATCTTCCACTTATTCATGGCTTTGAAAATAGAAC  
TCCATTGTTTCATGGCCATTTCTTGTAACGTAGAGAGATGGCTTCTTACCTTCTCCAAGTCACTGACATCAATAA  
ATTCAACATCCAAGAGCAAGTTGAGCTACTTATTGCCACCATACATAGCAACTTCTATGACATGAGTTTGAAGA  
TTTTTGAAGAAAATTGCAACTTAGCAATTGTGGAAGACGAAAAGAACAACAATGAGCTTGCATTGCTTGTGCT  
AGCCAGAAAATCATCAGCAATCGGTGGCAGGAATACATTCAACATTTGGAAAAAGTGCATCAATAATCATTGC  
TTCAAAGGAATCTACAGCAAAGATATGATGAAGAAGTTGGCTCGTAAATTAGTTAACAATTATGGCTGGCTT  
TTCAGAAAACTTCCCACGAGATGACAACTTCATTAAGTATCTACAAGACTACTACACGATGCTGCAAAAGCA  
GGAAACGTTGAGTTTATAGTTCTACTAATCGAATCAAATCCAGTCATTGTATGG

>trans\_c\_1287 NM\_001072089|Oryza sativa Japonica Group Os11g0109900 (Os11g0109900)  
mRNA, complete cds

GACATTCATTCATTCATTCATAGCCATTGGCTGGTCGTTCCCATTTACCAATTTGTTCTCCTCCAATTCCATTAC  
CCTCGATAATAATCGACGATTATGGAAGCATCCGGCACAGTTGAAGCAGGTGCACCGCAACAATCTCCATTCC

>trans\_c\_1288 AY052326|Arabidopsis thaliana AT4g02580/T10P11\_14 mRNA, complete cds

```
>trans c 1289 AB489142|Plant binary vector pIG121-Hm DNA, complete sequence
```

AAGAAATGCTAGTAGAACCGCAGATTCTCAACATAGAGAAAATGGGTGGTTTCCATGTTTACAAGCGAAGCTT  
TTTGAGGACACGATGATTGAAGTAACAACCGATGAGCTTGGCCAGTCGATTCCAGCTGCCAGCTATCTCTGAT  
GATATATGACACGGATGATGATCTTGTAACATATGCTTCCGTATTGTGCAAATAAAAGTAGGTAAAATAGCTG  
CTTTTTCATGCACTAAATCCAGAAATTCTTTCCCCTCTTCTTATTGTGTTTAACAAATTGATGATAAGTTTAT  
CATAGTTGTTTCACTGAACTTGGAAGCAGTGAAGGGATTTTATTGTTTTAGCCAAAGATAGCTAGATTGCTCTT  
TCTTGGCTTTTGCACAACTCCATGTAAGGCATCTAAGACTCAAAGTCTGACTCATTGTAAACAGTCATATTTGTT  
TATCATTACAATATACAAGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAAATTTATCAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCGGAACCC  
AATTCCCCCAAAAAGGAGTCAAAAAACCCCCCCCCACGGGCCCTTTTTAAACCCCGGGACGGGAAAAACC



CTGGGGTTACCCAATTAAATCCCCTTGAAAAAATCCCCTTTCCCAGCTGGGGAAAAAACAAAAAGCCCC  
CACCAATCCCCCTTCCCAAATTTGCCACCCCTAAAGGGGAAAGGGAACCCCCCTGAAACGGGCCATAAAAC  
CCGGGGGGGGGGGGGGTACCCCCAGCGGGACCCCTAAATTTGCCAGCCCCAAACCCCCCTCTTTTTTTT  
TTTTCCCTTCTTTTTCCCCACGTTCCCGGTTTTCCCGTAAAGCTTAAATCGGGGGCCCCCTTAGGGTTCCA  
ATTTAGGGTTTTACGGCCCCCCCCACCCCAAAAACTTGATAAGGGGGATGTTTACGTAGGGGGCCATCCCC  
TGAAAAACGGTTTTTCCCCTTTGACGTTGGAGTCCACGTTCTTTAAAAGGGA

>trans\_c\_1290 AB024994 | *Cicer arietinum* mRNA for rab-type small GTP-binding protein, complete cds

ATTTTTCAAATTGATTGCCGTGCAGATTTCTAGGCTCTTTACAAAACGCAAATACAAATAATTCTTCTCCTTG  
TTTATTCCTTCACTTTCTTCAACAATTCCGTCTTCTCCGCGAATTCCTCCGCGTTCCGATCGATACTCGCCGG  
GCTAAATTACAGTCTCTCCACCACCGTTAGGAATTCTTCTGACTCCATCCATATCCACCGCTTATCCGCCATG  
ACGCCTGAATATGATTATTTGTTTAAGCTCCTGCTTATTGGAGATTCTGGTGTGGAAAATCATGTCTCCTTCTG  
AGGTTTGCAGATGATTCGTATTTGGATAGCTACATTAGCACCATCGGGGTTGACTTTAAATCCGCACCGTGG  
AGCTGGATGGAAAGACTATAAAGCTCCAAATATGGGATACTGCTGGCCAAGAACGTTTTAGAACAATAACCA  
GCAGCTACTACCGTGGTGCTCATGGCATTATTGTTGTTTATGATGTCACAGACCAAGACAGTTCAATAATGTT  
AAACAGTGGTTAAATGAAATTGATCGTTATGCAAGTGAAAACGTGAACAACTTCTTGTTGGGTAACAAGTCTG  
ACCTGACAGCAAACAAAGTCGTGTCCTATGAAACCGCAAAGGCGTTTGC GGATGAAATTGGAATCCCTTTAT  
GGAAACAAGTGCTAAAAGTGCCACGAACGTTGAACAAGCTTTTATGGCCATGGCTGCTGAAATCAAGAATAG  
GATGGCAACTCAACCGATGAACAATGCGCGGCCGCAACTGTTCAAATTCGAGGACAGCCTGTGAACCAAAA  
GTCTGGTTGCTGCTCATCTTGAAGAAAAATAGGAGATGGAGATATCTCTATGATGATTGGGTTCTTCACATGT  
AAAACCTCTTTTCTTATAAAAAGCTTCGTTTTGTTTTTGGTGTCTTCTCTCCATCATTTACTTTGTTGGTCGGTCA  
GCACTTTGTTTAAAATTTCCCCATTCTTTTCAATGTATTTGATTCTCATAACATAAGCTGAAACAAACAAAAACA  
AAAACAAAAACAAAAAACTAAACCATCTGTACAAATTAGAAAATATTATTGGTGAATAGCACTATCCACTATT  
TGCTCTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1291 NM\_121632 | *Arabidopsis thaliana* SYN4 (SISTER CHROMATID COHESION 1 PROTEIN 4) (SYN4) mRNA, complete cds

AAAAATCTGATCACAATGTTTCCCTTGTAACCTCACCTCGAGAAAATGGTGAATCCAATTATCTGACACCCGAA  
AATTGTGACAAACCTGTAAAGTTAGGGGAAATTGATGTGGATGGAGTAAATACGACAGACTTTGTTTGTGATG  
AAAAGGATGCGGCTTCTCTTTGTTTAATTGATGGAGCTCAGGTGGATTCTCACTTTTCATCGGGATTTGATATG  
GATTTTAAAAGTACCTCCTTCAATGAAGTTGTAAATCCGGAGTATCCTGAAGAAGTTGATTTGCTCAATATTGT  
GGACACAGAATTGAATATTCTTGACCATCCTATGGAAGACCGTGGTGACTTCGAGGATGCTACAGTGGCGAAT  
GATATAGAATTTTTGAATGAAGATGATGACGATGAAGAAGACGAGGACAACATGCAATTTGGTGGAGATCCT  
AGCTTTCTTGAAAACAGTGGATGGTCTTCCCGCACCCAGGGCTGTTGCCAGATATCTTCAAAATCTCTTTGATAG  
GGACACTGTACATGGGAGAAAGGTTCTTCACATGGATAGTTTACTCGTTAACAAAACCTCGGAAGGAAGCATC  
AAGAATGTTTTTTTGTAGACATTGGTTCTCAAGACAAAGGATTACCTCCATGTAGAACAGGAAAGACCTTTGA  
CAACATTAGTATAAAGCCAAGAATAAACCTCATGAAGTCAAGTTTCTGATTTACTTTAGGAAAAGGCAGAGAT  
ACACAGCTGGGAAAAAAACCAAAAAACAGAAAACCAAAAAACAAAAAGGCTCCGGTAGATGTTAGTTCCGGCC  
GATGCTCCACTCGGGATGTCAATAGCTTTTTTTCATCATCAGAACTCCCCTTCCAACAAAATAATCTTTTGTAT  
TTCTTTCTTCTTTCTTTTTTTATTATTATTATATATTGCTTTGTTTAAAGATAGACGTTTACTTAAGTGCTCAGTGA  
GTCTAACAGTGAGGTCAGGTTGGGTGCGAGTCGAGTCAAGTGGGCACATCGTATATTAATGTGTTTATTGTACC  
CACTTTTGTACTATGACAGATACTCTCATGTATATATTATCTGTAAAAATAGTCTCTTGCTATTGAAGATGCTG  
ATTTATTTGTTAGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1292 NM\_202221|Arabidopsis thaliana ATNSI (NUCLEAR SHUTTLE INTERACTING); N-acetyltransferase (ATNSI) mRNA, complete cds

ACCTTATTGAGTGATATTTCAACCATTGGTTAGCGGCTGGCTGAAGAAGATGGGCCAGGACTATACTATGGGG  
AACTGAATCTTCATCTTCAATTACAACAAATCGTCTCTGCTCCGGCCATTTCTCCCTAGCTCCGATTCTATTCCA  
GTTCTCAAAAGTATTCTCCCCACCGGCCTTAATCCCGCTCCACTCATCCTCATCCAGCGATGATGTCTCACAAAC  
TCTTCGCCGCCTCTTCTCCATGCCAAGTTGTTTTGTTGGATTGTAAGTCTAATGGGTGCAAGTCGTTGTTGGTTT  
CTCGGAATCTGATGAATTACGGGCTCACTAGAGTAAGCAAAAGGCTGAAGGTATGTCGACTCAGGGCTGGCT  
TCTGGGACTCCATCAAATCCGGGTTCTTGAATAATAATAATACCCAAGTGGTTGAACCTCCTTCCACGCTTCAG  
GAAGAGGAAGAACCCTTGCCTGAAGAGTTTGTCTAACTGAGACAACATTACCAGATGGAAATATTGAACAA  
ATAATATTCACCTCAGGTGGAGATGTCGACATATATGATCTTCAAGCCCTTGTGATAAGGTAGGTTGGCCAC  
GTAGACCACTGCCAAAGTTAGCTGCAGCCCTTAGAAACAGTTATATGGTAGCTGCACTGCATTCAACACTTAA  
ATCCCTGTTTCAGAGGAGAATACACAAAAGAAGTTAATTGGTATGGCTCGTGCAACATCAGATCATGCGTTC  
AACGCCACAATTTGGGATGTTCTTGTGGATCCTTCTTATCAGGGTCAAGGCCTTGGCAGGGCCCTAATTGAAA  
AGCTTATAAGGGCACTTTTGCAAAGGATATTGGCAACATAACACTCTTTCAGATAGTCAAGTGGTAGAGTT  
TTACCGGAATCTAGGTTTCGAACCTGACCCTGAAGGAATTAAGGCATGTTCTGGTACCCAAGACATTAGAAT  
CTTTGCTTGGACAAAGGTCATATTTCTTCTCCATATGTTTTGTTGTATAAAGTAGGATCTTGGATTGGAAATAG  
AAGACAAATGAGTTTTATTTATATGATTATCATGGAAGTCTGTATATACACTTCATATTATTTATGAATAATATC  
CTATTTATTGACTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1293 NM\_101297|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT1G14310) mRNA, complete cds

TAGACGGCGTTGGAGAAACCAAAGGCAGCGGAACTGCAAGCGACCAGCCACAGTGAGGGAATTTTCTTCAC  
CATCTTTTATGCTAAACCGCTGTGGGGTGCCACTGGATTGATGGAATTGAGCATTCTTAGGTGCTCGCACGGC  
AGGAGTCTCTTTAGAGTCTTCAAGCCCTTCCCTCTTCTCTGAAAACGAGTATTTCCAATCCCCACCACATGCCA  
ATACAAAACGTTGGTGGAGGCTCATCTAATAGAGCTTATGATGCATTGCTTTTGGATGCTGGAGGAACACTAC  
TGCAGTTGGCAAAGCCAGTTGAAGAGACTTACGCATCCATTGGCTCCAAATATGGTCTAAATAGCACTCCTGC  
TGAGATAAAGCAAGGATTCAAGGAGAGCATTTTCTGGTCCGTGGCCTCAAAGCTACGTTACAAGGGAGATGG  
AAGGCCATTTTGAAAACCTCGTCGTTTCAGAAGCCACTGGCTGTTCTGATGATAGTTACTTTGAAGAAGTTTATC  
AGTACTATGCAAATGGTGAAGCATGGCATCTTCCAGATGGAGCTTATGCAACCCTGGGTGTTTTGAAAGATGC  
TGGAGTTAGGTTGGCTGTTGTGTCCAATTTTGACACTCGGTTAAGGAAGCTGTTGAAGGATCTAAGTGCTTA  
GATATGTTTCGATGCTGTTATAATATCGGCAGAAGTTGGATATGAAAAGCCAGATGGAAAAATATTTGAAGCTG  
CGTTAGATCAACTTGAAGTGAGGTCTGACAACGCTGTGCATGTTGGAGATGACCAGAAGGCAGATAAGGAG  
GGAGCCAATGCCGTTGGAATAGATTGTTGGCTATGGGGAAGCGATGTGATGACGTTTGAGGACATTCAAAAT  
CAAATTCTCGTTGAGCCTCCGGATTCTAAGCAGCTGATATTGTACTTCACTTCTTCTATGGGACAGATATGA  
ATCTGTATTGGGTTCTCAACTCTCTCCTTCCATATTGGGGTCTTTGTTGTTTATTGATTGCGAAACTCTGATGGT  
TGCTCACATTTTTTGAATAATTTATGTTAGGAGTTATTGATGGTGCGCACGCTCCTTATAAGATGAATAAAC  
AATTTCTATAAGATTTTGAGATGAAACTCTATTTAAGCAGGATTTTCTGCACAA

>trans\_c\_1294 HM480168|Nicotiana benthamiana plastid NEP interaction protein mRNA, complete  
cds; nuclear gene for plastid product

AATCTGGAGAAATCCTTCTGCAAATTGCTTCAATTTGTTGTGGACCAATTAATTACCCTGAACCACACGACGTT  
GAATCGAAAGATTTGTCTTAAGAAATGAGACGAACCCCAACAAACCCTTTTGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT  
TCCTTTTACCTTTTCTTCTCCGTCAATTTCAACCAATCCCCCATTTGATTTACTTTCCCTAAACCCTTTTAA  
ATTTGTAGCGACAACAAAAAAAAAACTCTTCCAAACATAGCCTTAAATGCGAGTTGGTTGATCCCTTCTTCTTCT

TCTTAAGCGCTAAGTTTTCCCTTTTCTTTGAAAACCCATTTTAGATTCTCCATTTTGGACCAACCCTTTTCATTTCCATGGATTTTCATAGCGAACCCATTTTCGCTTTTCTTCATCTTCCTCCCCTTCCTTTGGGAATCTCTTTGAGAGAGTTAGAGAAATTTGTTGCTATGCGGTTTCTGCGATTCTTGGAATATCTTGTCTGCGATCTTCACTTTCTTCTCGCCCTAGTTGGGACTTTGCCTGGAGCCAGGACCGGAGCATTGATTGGCCAAGAACTGAAAGTGGGTTTGTTAGAGGAGCTGCTGTTGGGGCAATTTCTGGAGCTGTTTTCTCTATTGAAGTCTTTGAATCTTCTTTGGTTCTTCGGCAATCAGACGAATCGGGGATTGGGTGTCTTCTTTATCTGATTGATGTCATTGCAAGCCTCCTCAGCGGTCTGTCTAGTTCGGGAGCGCATCGGTCCGGCCATATTGAGTGCAGTTCAAAGTCAGATGGGTGCTACAGAGACAAGCTTCGACGACATCCCAAACATCTTCGACACCAGCAGTGCAAAAGGATTGCCTGGGGATTAGTCGAGAAAAATCCCCAAGATCGTAGTATCTAAGAACAATAGTGTAGATGCTTATGGCGAAAGAGTCTGTTGTTCTGTTTGCCTTCAGGACTTTCAGCTTGAGAGACTGTAAGAAGCTTACCATATTGCCATCACATGTTCCATTTGCCTTGCAATTGATAAATGGCTTCTTACCCATGGCTCTTGCCCTTTATGCAGAAGAGATCTGTAATATTTTTCCACTCACCCTGTCTTAACTTGCCTGTAANTAAAAGAAAATTCCTTATTTT

>trans\_c\_1295 XM\_001697412|Chlamydomonas reinhardtii ubiquinone biosynthesis protein (COQ4) mRNA, partial cds

TAAAAAAAAGAAAGAATGAAAACCCTAAAAATAACCTCAGTCGTTGTTTCCTAATTCCTATAAGATCCCAATTTTCGCCAAAGAACCCTACGGCACCCAAATTAGGGTTTCAGAAAGTCAAGAACATTCCTTCCTCCAATTCATGATGAACGATGCTCTCATTTCTCCTACCGTTCTTTAGTTCTTAATCTTTATTCATAGTTCAATTGTTTGTATCTTTTTATTTTCATGATTTTGAGTTATTACAGTGATCTGTAGACGTTAATCTTCGTCTTTGGTTTGTCTGATGTTGCTGATTTCGTCAATTACAGTTGTTGTAAAGCTTGATTCCGTGAGTTTTTCAAATGCTCATTGGATTTGATTGGGTAAATGATCAGATTGGTTTATTTGTCCGTCTGTTTGATGGAGTAGTGATTTATTTTCATTGATTGAATATTCTGTGATATTTTTGCTTCAATGGTTGTTCTTTTCTTGTTAGCAAGAGGGTTTGAGATTAAATGGAGTATTATAGAAGGATTGTTCCCTTATACTGATTCATTTTTGTTCATATTTGTCATCTTTACAGCAGGTTGGTTATCTTGATCAACTCTGTGTCTGAGGATGACGAAATGAAGTTCCTCCATACCATTATTCTTTGTGAAACTGTTTTGACTTTGTAACACAAGGAGGATACAAATTTCTTCATCCTTGCTGACTTTTTACTACATCAAGTGTACAGGTGATTGATAACAAACATGGTTATCTTTCTCATTGATTAGATCGATCATTTCTTTTTCAACGACGAGGCAATATTTTTCTGTCATCTATAAAGCAAATAGGATATTTCTATACCAAATTTGTGTCGGAAGATGACGATATGAATTAGGCAATCCTCTATTCATTTTGAAGACCTGAAAATTCCTCCATTTTTTCAAGTAAAGGTTGTCGACACATCTCAGATGTCTCTGTTTGAAAATTTGATTATTGCTACTTTGAGTTTTTTTCTTTTTTTGAATGAGTGAATAATCACGTTTTGACTAGTTGATATGTTCCAGTCATCCATAAAGCAAATAGGGTGTTTTGTATACCAATTTTTGTGTCGGAAGATGACAACATCCACTGTGATGCTTTACATTTTGAAGGTTGTACCTCTT

>trans\_c\_1296 NM\_101055|Arabidopsis thaliana ATGLX1 (GLYOXALASE I HOMOLOG); lactoylglutathione lyase/ metal ion binding (ATGLX1) mRNA, complete cds

AGATAAGCACCACAACAATCATCTTTCAGCTCCTTGAGTTTGATTACCTTCATTCTCGTGTTGGGTTGTTGGCAAGTTTTGATTTTTGCTGACCGAGGAAATTGGATCATGCAACATGGTTCCTTGACAGCGTCCTTTCTTCTCCTCACAGGAGGTCCCCGTATTCCGAAAGTCCTTCCGAATGAGTTGGGCAGTTGGTCGACTCTCATGCAACGACATCGCTTCCTCCTGACAGCACTTGTCTCTTGACTTTTCTTTGCACAATTTACCTTTACTTTGCTGTCACCTTAGGCTCTTCCTCCTCTTGCTTTGGACTAACTGGGACTCAAAAAGCTCAGTGTCAACTGGAGCTTGCAAAGACTTCCATCGCTAAAGGGAAATTGAAAATCTTTGATACTTTGGATTTTCGATCCAAAGCTCGTGTCTTTTGCTTGTTGTTCTTAAATTTGGGTTGAATGCTTAAAAGAAATGAAATTAGTTAATCTGTGATACAAGGTTGTGTAGTAAGATGTAAGCGAACTCTCTATACAAAATGTCCGAGAAGGCCTTGGAATGAGGCTATTAAAGAAGGTTGATAGGCCAGAATACAAGTATACCCTAGCCATGATGGGATATGCAGATGAACTAGAGACAACAGTGCTAGAGTTGACTTATAATTATGGTGTGACAGAGTATACCAAGGGAAATGCATATGCTCAGGTTGCCATCGGTACTGATGATGTATACAAGAGT

GCTGAGGTTGTCAACCAGGTTAACCAGGAACTTGGAGGAAAGATTACTCGACAACCAGGACCACTTCCTGGA  
ATCGGCACAAAAATTGTTGGCTTTCTGGATCCTGATGGTTGGAAGACTGTTCTTGTTGATAATGCAGACTTCCT  
AAAGGAACTGGAACATCAGTGAGCTTAGTCTTGTTAAATAATCAAGTGATGAAATAAAACCATCCTGCCTGAG  
TTTGTAACTTACCTGTCATGTCTTTGAATAAATGTAGAGCCTGATGATGGCTCATATCTTTGACATTTCCAAGTG  
GTCAGTATGGCATGTATTACATTTTATAAGCAAAAAGAGAAAACTGCGAACTCACTTTGTAGTTTTATATTAC  
TATTACCTTCCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1297 XM\_002869539|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH:ubiquinone oxidoreductase  
family protein, mRNA

CACTATCTTAAGACAGGTCTATAATAGGGAGAGGATAATTTTTCTGGAGTGGAAGAGGAGAAGAAATTTTGG  
GATATGAAGGCTCTGTAATACCCGTTCAAACGGTGGTTGAAACGAAGATAATGTCGAACTTTTTGGGAAAAAT  
TGCCGGTTTCTTCAGCAATAGAACTCTGGTGGGAGTGACAAAAGCGGAAACAGGTACTTCTTCGTAAAAGA  
AGAAATCGATGGTATAATGAAAGAGAAGAGATGGGTGGTATTTAAGGGTGAGGATGATCCAACGTCAATTCC  
AGTGGAATGGATATGTTGGTTAAATGGGCAGCGTAAAAAGGCTCCAACCCAGAGGAAATGATGGAAGTAG  
AAGCTAGGCGTGAACGTGTACGACAAAATGTTGCTCTTCTCAAGAAAGAAGAGATGGAAGAAACTCTAAAG  
AAGGCAAATTACGGAAAATCATCAGCACTGGTCAAGTTATGGGTCCTGACTTGAAAAGCTTTATCCGACAGGT  
CCCAACTGGTTCAGAAGGTGCCAAGATGTGGAAGGATTGCCTACAAGAGATACCCTGAGGAACTCAAACGA  
AAAGGAGCCAGTTCAGAGAAACCAATTCGGAGTCTCCGAGCCTGTTGGGTCTGGCCATACATTTAGACCC  
GGAACATGGCAGCCACCAACATGAATGATGATTGCCCATCAAGGAGAACTCGCCAACACTAAAGCTAGCAGT  
TTGTTCTATGTCCAACAATTCAGTAAGCTTCTGAGTTCCGATTACTTACCTCCAATTTTCTGAGGACATGCCC  
TTCTACTTGACTGTATCAGATCCTGCCCTACAAAAGTCTCAAACAAGATTGTCCTCTGCATTGCCTTGTTATT  
TGTCTGATGAAAAGCAGTTATAACTTAAATTTTATATAGTAAGTTTAATAAGCATCCTTATAGAATACTTGTGA  
CAGTTTTGACCTCCCCATTCTATCTAGAGGCTGAGAAAAGTAAGTAGCAATTGTCCGTAGTGGCATTGCCTTG  
GAAAATCACTGTGGGATTGATATTATTCCTGTTGGTTATGATTTGATTTGTAAAACCTTTTATCCCATATTATT  
GGAACTCGTTGTAATGTTTTCAGGCTCATCTTGAGGGATAAATATCATGATGCAT

>trans\_c\_1298 XM\_002878181|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata  
endonuclease/exonuclease/phosphatase family protein, mRNA

AATCGATGGTTGTGCAACATTTTTCCGTAGAGACAGATTTGCACATGTCAAGAAATATGAGGTTGAGTTTAAT  
AAGGCTGCCCAGTCGTTGACTGATGCTCAAATTCCTACTGCACAAAAGAAGAGTACTTTAACCCGATTAGCTA  
AGGACAATGTTGCACTAATAGTGGTTCTTGAAGCAAAATTTGGTAATCAGGGAGCTGATAATCTGGGGAAAA  
GGCAGCTTCTCTGTGTGGCCAATACTCATGTTAATGACCATCAGGATTTAAAGATGTTAAGCTGTGGCAGGT  
ATCTACTCTTCTGAAAGGACTGGAGAAAATAGCTGTTAGTGCTGACATTCCAATGTTGGTTTGTGGTGATTCA  
ATTCTGTTCTGGAAGTGCTCCTCATTCACTTCTTGCAATGGGGAAGGTAGAGCCATCACATCCAGATCTGGCC  
ATCGATCCTCTCAATTTATTTGCCCCACCTAGCAAGTTGATCCATAAGCTCCAAGTGGTTAGTGCTTATTCATCC  
TTTGCAAGAATGGGTGCTAGTATTGGGTGAGAGAAGCAAAGGAAGAGACTTGACCCAACAACAAATGAGCCC  
TTGTTTACAAATTGTACAAGAGATTTTATTGGCACCTAGACTACATATTTTATACCGTGGACTCCTTAACAGGT  
GAGTCTTTAATAGAGCTTCTGGATGAGGAAAGCATGAGAAAAACACAGCACTTCCTTCCCCAGAGTGGTCTT  
CTGATCATGTGGCCCTACTTGCTCAGTTCTGCTGCAAGCCTCGAATTAGACGCTGATACTTTGATGCAGATCTG  
GAGATACTCGAGGCAGATGCAATGAAATGGTGTGGAAACAGATTAAGTTCTGGAAGGGAAGGATAAGATT  
GGTCATCATACTGTGTTTCCAAGTAATTCTTTAAAAACAGGAACCATGCTCTGACCTGATCTACTCCCTCTGTA  
TTTTATTTATTTTATTGGAAAAGAAAATGTGGCGCCCCCTCCCCCATGTGAATTGGCTCGATATGAAAAA  
TCAAAAGCCATCCTTCTCTCTCTTTTATGTGTATTCATCTTTGCTCCCAAAAATGACAATCTTTCAATTTATAT  
AGAATTTTTTGGCCTTGCAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

AGCTCAAGAAACTTTACAGGAAGAAGAAGGCTGCCCGCTGTCTCTGTATATAAAACCATCAACAACACAACACTCT  
CTTTGTTTGTCTTAACAAAAACATACAAAAAGGGAAATGAAGATCAACTTCTCACCGATTCTGTGAATCTCGA  
TCATTTCTTACATCTAGTCTTCTTCTTAATCTCTCTTTTCTCATCCCTTTGAAGCCATCTCTTTCTGATTTTGATCA  
GATATCAACGAAAGGTTCTGACTGCAGAACCGTTTGAAGTCAAGTCAAGTCAAGTGTGACTTCTTTCACATTTCC  
AGTTTTTTCATATTTCAAACGCTTATTTTGTACCTAAAATTCTGGTAACAATGGGACTCTCCAGCCTTCTCGCCCC  
TTCTGAAGGAGTACTAGGTGTGATCCTTGTAATACAGCCTTATCCATTTCTATCTTCAAAGGCATAGTTCGGT  
CAATCCTCCATGTTGTTGGCATCCATCTCTCCTCGTCTCAGCTACATTACCTTCGTCACCAGATTCTATGGAGA  
ATGCTCCCGAGTCCATAGAGTTTCATCTTAACCCCAATGGAAGTTACATTGAAGAGTTCGCAGCCGAATCCCG  
GCAATTCTTTTCGACAAAGTTCGAAGCTGTAAATGGCTTGAACACGATTGCTCAGTTTGCCTAACCCAATTGGA  
ACCTGAATCAGAGATAAATCATTTATCTTGTGGCCATCTTTTCATAGCGTGTGCTTGGAGAAGTGGTTGGACT  
ACTGGAACCTTACATGCCCACTGTGTGCAACTCCGTTAATGCCAGAAGAAGACACAGCTTCTGCTTTTGGTGA  
GAGGATTATTAATACGATGGTTGAGGAACTTCTTACCATTGTACAGCAGCATAGTGTAGATAAACTTAAAAAG  
TGCATCCGCAGGCCATAGCATTTGTACCTTTCATATGCATGAGGAGTTGGAAGCGTGATGAGTGGTGGTTGG  
GTCTCGGACCCTAGTTATTTTATTGTAAATATCAAGCTTCTGCTTTTTGATCTTTTTCTTTTTGGTGGTTATGC  
AGTCTTGAGACTGGCTTTTACATTTCAGTTAATGCAGCTACTTCCCTTTATCATCTTCTCATCGAAATTACATT  
GCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

TGATTCACTACAGAGTTAGATTTCGATCATTTCTCTTTAAATGGGGAGCTTAGAACGGACGATTCTCGTCACTG  
GTGGGGCTGGATTCATCGGCACCCACACTGTTGTTCACTTCTTAAAGAAGGGTTTAGCGTTTCATTCTCGAC  
AATCTTGATAAATTCGGTTCCTGAAGCCGTTGATCGGGTAGGGAATTGGTCGGCCGAAACTTTCGCAGAAAC  
TTGAGTTTAATTTGGGAGACCTGAGAAAGAAGGAGGACATAGAGAATTTGTTTTCCAGGACGAGATTTGATG  
CTGTTATTCATTTTGCTGGTCTTAAAGCTGTTGGGGAGAGTGTTGCTTTCCACGTAGATATTTGATAATAATC  
TTGTTGGAACCATCAATCTCTATGAGGTTATGGCAAATATGATTGCAAGAAGATGGTTTTCTCGTCATCTGCG  
ACTGTTTATGGTCAGCCTGAGAAAATTCGCTGTGTTGAAAATTTTGAATTAGTGGCATTGAATCCTTATGGTCG  
GACGAAGCTTTTCTTGGAAGAGATTGCTCGAGACATTCAAAAAGCAGAGCCCGGTTGGGGAATCATCTTGTTG  
AGATACTTCAACCCTGTTGGGGCTCATGAGAGTGGTACAATTGGTGAAGACCCAAAGGGTATTCCTAACAACC  
TAATGCCTTACATTCAGCAAGTCGCAGTCGGTAGACTACCGGAGCTCAATGTATATGGTCATGACTATCCAAC  
AAAAGACGGCAGCGCTGTCCGAGACTATATCCATGTTATGGACTTAGCCGATGGACACATTGCTGCTCTTCGA  
AAACTTTTTACGAATGAAGATATAGGGTGCACTGCCTACAATTTGGGGACTGGACAGGGCACATCCGTGCTAG  
AAATGGTTGCAGCATTTGAGAAGGCCTCGGGCAAGAAAATCCCTATAAACTATGCCGAAGGAGGCCTGGTG  
ATGCAACAGCAGTGTATGCATCGACAGAGAAAGCCAAGAAAGAACTCGGCTGGACGGCAAAATATGGCGTA  
GAGGAAATGTGTAGGGACCAATGGAAGTGGGCAAGCAGCAATCCATGGGGATACCAAAAGAAACCTTAAAA  
AGTACATAATCCTTTCATACCTATGCGCAAGTACTCAATAAGAAACCTTACCAGA

TCGGTAAAGAGTCCCTTCTTGCAGAGGGAAGGTGCGGGCCCGTTTACAGAGCTGTTCTTCCCGGAGATATCCA  
CGTGGCGATTAAAGGTCTTGAATCCGCTAGAACCGTTGCTCGTGATGAAGCTGTAGCCATGTTTCGAGGACCTT  
TCCGCACTGAAGCATTCCAATTTGTTACCGCTTTTTGGTTACTGCATTGCAGGTAAAGAGAAATTAGTATTGTA  
CGAATTCATGTCCAACGGTGATCTCCACCGGTGGCTTCACGAGCTTCCGACCGGCGAACCCAACGTCGAGGAT

TGGAGCACCGACACATGGGAAATCAACAACAATACCGTTAATGGGTCCCATTTTTTCGTTACCGGAGAAGTTAG  
GATGGGCAACGCGCCACCGCATTGCATTGGGGATAGCGCGTGGATTGGCGTATCTTCACCACGCCGGATCGA  
AACCGATTGTTTCATGGGCATTTGGTGACGTCAAACATTTTACTGGCGGATGATTTTCGAGGCTCGAATCGGGGG  
ATTTGGATTACGACATGTCGGGGGGAAGAACGGCGAAGATGGGGTGGAGAAAGATGGGTATTGTTTTGGTG  
TGGTGTGATGGAGCTTTTAACGGGGATGCCCGGCAGTGCCAACACGGTGGTGGGAGTGAGAAAAATGGTT  
AGGGATGGAAAAGCTTTAGAGGTCATTGACCAGAGATTGCGACTCGGCGGCGCTGAATCGGAGATGGTGGA  
GAGCCTCCGTGCGGCGTATCTATGAACGGCGGAGACGGCGGTGAAAAGACCGACAATGCAACAAGTCCTAG  
GGCTGCTCAAGGACATTCATCCACACACACCCAAACCGAAGTCTGTGAAGTGACTCATTTACCCCTCTAGTC  
TCCTCGAAATATTACGGATCGTGCCACTAGTGACCGAAAAGGCGATAATGCCATCGAGGAAAAGTACGTTTCG  
GAATTGGCGATGATATTCCTCACTTTTCTTTTGGCAAATGGCAAAAATAACCTCAAACCTTTTCATTGTAAAA  
TTGAACACTCCCATTTACATTAGTTGAACACATTGGAGTTCAATCTTAATATTCAAACCAAACTACTTAGCCCA  
TCTTGGGCATCAATCAAATTTTGCCACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1302 NM\_147887|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT5G22050) mRNA,  
complete cds

CATTATTGAATTTCCCCACCAGGGTTCTCCATTTTGCCTGCCATGGATCCATGGATTACAGGTTCAAGGCATC  
GCCTCTCGCATGGTTTCACCGATCTCGTTCTGTGCCTATATTATACGTGAGGCGTTTTCTACAAGGAAGTA  
AAAAGGGCAACTGGTGGTTCAATAGAGTTGTGTACCAATCCTCGGAGTGCTGCTTATAATGCTAAATTTTC  
AAGATGGCAGAGTTGCATTGGTAAAAGAGCTGAGAGCTTTGAATGACAATCTTTTTTATACAGAAGTCCAGCT  
CCTTGGACGCTTGCACCATCGCCATCTTCTTACATTGCGAGGCTTCTCCACGGCGGGCCATAAGAGATTGCTCG  
TGTTTGACGAGATTGGAATGGAAGCTTGAGGGATCTTCTTAATGATCCTCTCAGGACTCCCTTGAATTGGAG  
GATGAGGCTACAAATAGCCGCAGGTGTGGCTGCTGCTAGACTAGAACTTGTCTTTTACCCATCCTCCGATGT  
GTCACGTATCAATTAGCTCAAGCACTATTATGCTAGACGAAAATTTCACTGCAAAGATATCTGATGTTGGCTTT  
CTCTGCTCCCCTGTAAACATCACTGGTTATCCAGATGCACAACAGTCAGATGATTTTAGGGATGAAAAATGTG  
GAAACATTATTTACCAACTTGGAGTGCTGATCCTGGAAGTATAACCGGACAATCATCAGATGGAACAGGGG  
CTGATCTTATCAGGTGGATTCAAGGGACAAATTTTGCAAGATCAATGAACAAGATGATTGATCCTGATCTCGG  
AAATAGCTTCGACTACAAAGATGTGAGGAACCTTCTATCAATAGCAAGATTGTGTATAAAGTCAAGAGAAAAAG  
CCAAGATTCTCGTTGCTCAGATTTTTCGGTATCTGCAGAGTAAAGTAGATTGACTAGCTACTAGTGTTATTTTC  
CTTACCCTTCTATTCCCAAACTTCTTTTTCGGTTTCATTCAAGACTTTCTTTTTTATATCCACATAAATTAAT  
TGCTTCATTAGGAAAAAGGAAAAAATAAAGTGTATTGTTGTTCTTCTAATACCCCTCATAAGCTCG  
CATATGGTTACTTTTTTCTTCTTCTTCTTTCTTGAGCT

>trans\_c\_1303 XM\_002873207|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NC domain-containing protein,  
mRNA

TAAGTTTTGTCTCTATCTCTTTCCGTTACGCTTCTCTGACTTCAGCCATTTCCATTCAATTGATTTTAGGTACT  
TCATTAAATCGTCGCCATTCCATTGCATCCGCTGGCAATTGAGAAGAGGGCAATCAAAGAGAAACGGATATG  
GGGCTTCTTTCCAACAGAGTTAATCGGGAGAGCTTGAAACCGGGTGATCATATCTACTCTTGAGAGGCCGCTT  
ATATTTATGCCATCATGGTATCTATGTTGGAGATGGAAGAGTTATTCACCTCACCAGAAGAGGTCAAGAAGT  
AGGAACCGGGACCGTGCTTGATGTCTTTCTGGCAAGTTTCAGGACCTGCTCGATCCTTTGTGCCATGCCCTACTT  
GCATTCCTCTCGAAGAAGGGAATGGGGTTGTTTCTTCATGCTTGAAGTGTCTTCTGCTGGTGGAGTGTTGTAT  
CGTTTCGAGTATGGTGTCAATCCTGCTTTTTCTGGCCAAAGCTCGAGGTGGAAGTTCACCCCTTGCAAGCTC  
TGATTGAGATGATCTTGTGGTCCATCGAGCAAAATACCTACTCGACAATGGCTTTGGATGCTATAATGTATTCA  
AGAACAAGTGTGAAGACTTTGCAATATACTGCAAACTGGACTACTTGTGGTTGATCAGAGCACTATGGGACA  
AAGTGGGCAAGCAGTTTCAATCATCGGAGGACCTCTGCAGCTGTTCTTCAACACCACTCCGTCTCGTGACAA

CCAACGTCTATGGAATGGCAGTGACAGCCGTTGGTGTGTAAGTGTGCTAGTAGATATGCTGCTGATATTGGGAT  
GAGAAAGGATGTGATGAAGATACCTGTGGAGGATTTGACACAAAGGCTGGCCACCGGCCTTCTCCAGGTGGT  
AGAACCGCAGATTTTACCCGCAATGGCACCGGAGTCTCACCTGCTTATTGGCAGATAATTTAAACTAACATAT  
ATTTTTAAAGGAACTGGTGTGATGAAGATACCTGTTGTTGTTTGTCTAGTTTTAAACAGGAAGAACTGTTGT  
GAAATGTAACCTTGTCAAACAAAATATTTGTGGCATTTTGAAAGTTATTTAAGAGGTCTATAATTTATTAGGAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1304 AM162551|Papaver rhoeas mRNA for soluble inorganic pyrophosphatase (p26.1b  
gene)

AATCTTTCAAGGTTTTGGATGTTTTACCCTTCGCCTTTTTCTTTAATTTGTTTCAGAGCTTTTTTTTTCTTTTTGT  
TCTTTAAGCTGTTGCGATTCAAGTATGATATTCTTTTATTATGTTTTCTTCGTGGGTTTGGTTTGATTGATTACT  
TTGCTTCGTAAGTCTGTTGTTTACTGTTGTATTTGAGTTTTGAGCTTGAATGAATGATCCCATGGGGAAGAAAA  
ACAAAGCTCGACGCACCCACGAAGAGAGAGAACAACAAGAAAGGCGAATATGGAACAGTGCTGGAGG  
AGGAAGTTCTTCGAATATGGGGTTCCCTAGGATTCGGCTCAATGAAAGAATTCTTCTTCTTGTCTCGAAGAT  
CTGTCGCTGCTCACCTTGGCACGATTTGGAGATTGGACCCGGTGACCCGACGATTTTCAACTGTGTTGTAGA  
AATAGGCAAAGGCAGCAAGGTTAAATATGAGCTTGACAAGGCCAGCGCCTTATAAAAGTCGACCGTGTACT  
TACTCATCAGTTGTTTATCCACACAATATGTTTTATCCACGTACAATTTGTGAAGATAGTGATCCTATGGA  
TGTTTTGGTACTGATGCAGGAGCCTGTGCTACCAGGATCTTTCCTCCGAGCTCGTGCTATTGGATTGATGCCTA  
TGATTGACCAAGGAGAAAGGGATGACAAAATCATAGCAGTATGTGCCGATGACCCTGAATCCGCCATTATAC  
AGACATCAAGGAGATTCCCCACACCGTCTGGCTGAAATTCGCCGATTCTTCGAGGACTACAAGAAGAACGAA  
AACAAGAAAGTCGATGTGGAAGACTTCCTGCCAGCAGAAGCTGCCGTTGATGCCATTAAGTACTCCATGGACT  
TGTATGCTGCCTACATAGTTGAAAGCTTGAGGCAGTAAGTTTTCTTTTAAATGCAATAAGAGATTGGCTGTT  
AAAGAAACAATTAGCAGCAATTTACTGAGGCACACTTACTGCCTCATCTTTTAAACCATCAAATGTAAGTCT  
CAATTTTTTAGTATGAACAATGTATAAGTGGAAGACTTATGTATGCCTCCTTCCACGTGCAATACATTTTATTC  
AAATTGGAGCCTATTCTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1305 DQ121387|Nicotiana benthamiana PHB1 mRNA, complete cds

TGTTCTATTTCTTTTCGGACCCTAAAACCCTCTTCTCCATCGTCTCTATTGTGAATCTTCACCGCCATTTCCATTG  
TGTTACCATTTTTCTCTCCAGGATGGGTAGCAGCCAAGCCGCTGTATCATTTCTACCAATATTGCTCGTGCTGC  
TTTCGGTCTCGGCGCCGCTGCATCGTTCTGAATGCCTCCCTTACACTGTCGACGGTGGTGAAAGAGCTGTTT  
TCTTCGATCGATTTGGGGTGTAAATCGACGAGACTGTTGGCGAGGGAACACATTTCTTGATTCCATGGCTTCA  
AAAGCCCTTTATATTTGATATTCGTACGAGACCACACACTTTCTCGTCTGTTCCGGTACTAAAGATCTTCAGAT  
GGTAAATCTGAGCCTTCGTGTTCTCTCTCGTCCTGAGATTCTCGACTCTCAGATATTTTCAAACCCCTAGGTCT  
AGAGTACGACGAGAAGGTCCTCCCTTCAATTGGAAATGAGGTTCTGAAAGCCGTCGTCGCTCAGTTTAACGCC  
GATCAGCTTTTGACTGAGCGGCCTCACGTTTCGGCTCTTGTCGTGAGAGCTTGGTTCGGAGGGCTAAGGACT  
TCAACATTGTGCTGGATGACGTTGCTATCACTCATTGTCTTATAGCCCGGAGTTCTCCAAGGCAGTTGAGCAG  
AAGCAAGTAGCTCAACAAGAGGCTGAGCGTTCAAATTTGTTGTGGCCAAGGCTGAACAAGAAAGAGAGCT  
GCAATTATTAGGGCTGAAGGTGAAAGCGAGTCAGCTAAGTTGATTTCTGATGCTACATCGGCTGCTGGTATGG  
GTTTGATCGAGCTGAGGAGAATTGAAGCATCAAGGAGATCGCATCCACCCTCTCCAAGTCGCCGAATGTGG  
CCTACTTGCCCGGTGGTCAGAACATGCTTTTGGCTCTGAATCCGAGCCGGTGAATGAATTGGTAAGTGTCTT  
GAAGAGGTGCTCCGAACATAAAGATGATCTGCTGGAATGACTTGCTCACACTTTGAGTTCTCCCGTCGTAT  
GCGTAGTGGTAAATGAACATTATAGAATAAGAACTTTTAGCATTTTTTTGTTATTCTCGTAAAAATTAGTTTG  
ATGAGCGAGAACGTATTATTGATTAAGCAACAATCTTCACTG

>trans\_c\_1306 AB506697|Lotus japonicus Sec13-like 1 mRNA for SEC13 family protein, complete cds

ATTGAAGACTAACACGAACTTGGAACCTCAATTTCTGTACCTTCTTCATCTTCCATCCTTCGCATCGCTCCTTTAA  
ACCCCATCTAATCGGCTCTACATTCCTCGAGAGATCAACGAGGAAAATCGTGTACCGATTTTGTTCCTATTAC  
TCATTTGTGGAATTAGTTGTCAGAGAAGATGCCTGGTCAAAAGATTGAACTGGTCATCAAGACACTATCCAT  
GATGTTGCGATGGATTATTACGGTAAGCGTGTTGCATCAGCTTCATCTGACCAAACCATCAAGATCACTGGTG  
TAAGCAACTCAGCCACTCAGCATCTTGCAACGCTTACCGGTCACCAAGGACCTGTATGGCAGGTTGCCTGGGC  
ACACCCAAAATTTGGCCCCTTGCTTGCTTCATGTTCTTATGATGGTCGGGTCATAATATGGAAGGAAGGCAATC  
AAAATGAGTGGTCACAAGCCCATATATTCGATGATCATAAATCATCTGTAACTCAATTGCTTGGGCCCTCAT  
GAAGTGGGTCTTTGTTTGGCATGTGGTTCATCTGATGGCAATATCTCTGTATTCACTGCAAGAGCAGACGGTG  
GTTGGGACACCTCTAGGATCGATCAAGCTCACCCAGTTGGAGTCACATCTGTTTCATGGGCTCCATCTACCACA  
CCAGGTGCTCTTGTCGGATCCGCTTTACTCGATCCTGTTTCAGAAAGCTATGCTCAGGCGGTTGCGACAATACAGT  
CAAGGTGTGGAAGCTGTACAATGGAGTTTGGAAAGATGGATTGCTTTCCAGCTCTCCAAATGCACACTGATTGG  
GTTAGAGATGTTTCATGGGCTCCTAACCTTGGTCTGCCGAAATCGACAATTGCAAGCGCATCTCAAGACGGGA  
AAGTTGGTATCTGGAACGTAGTCAAAGAAGGAGATCAATGGGAAGGTAAGGTTCTAAAGGACTTTAAACCC  
CTGTTTGGAGGGTATCATGGTCGTTAACGGGCAATATCCTGGCCGTGGCTGATGGAAATAACAATGTTAGTTT  
ATGGAAAGAAGCAGTGGATGGTGAATTGGCAGCAGGTTTCAACTGTTGACCCTTAATGTCCTCTTTTTTACTTTT  
TTTCTTAACAACAGAATTTGGTATACTTTACACAATTTTAACTCTG

>trans\_c\_1307 NM\_119689|Arabidopsis thaliana BSK1 (BR-SIGNALING KINASE 1); ATP binding /  
binding / kinase/ protein kinase/ protein tyrosine kinase (BSK1) mRNA, complete cds

CAGGAGGATGCCCCAGCAGCCCCTGTAGCCCCTGTAGCTCCAGCAGCCCCTGTAGCTCCACAACGCCCTTTAT  
CGTCGATGGGTGAGGCCTGTTTCGAGGATGGATCTCACTGCAATTCATCAAATCTTGGTTATGACACACTACAG  
AGATGATGAAGGAATAATGAGCTATCTTTTCAAGAGTGGACACAACAGATGAGCGATATGCTGGAAGCAAG  
AAAGCGTGGGGATTTTGCCTTTTCGGGACAAAAATTTTAAAGCTGCAATCGACTGCTATTCACAGTTCATAGATG  
TAGGAACTATGGTTTCCCCAACCGTGTTTGCTCGACGAAGCCTATGCCATTTGTTGTGTGATCAACCCGATGCA  
GCACTTCGGGATGCAATGCAAGCACAATGCGTACACCCAGACTGGCCACAGCCTTCTACATGCAATCGGTTG  
CCCTTGCAAAGCTGGATATGCAGAAAGACGCAATTGACATGTTGAACGAAGCAGCTGCGTTAGAAGAGAAGA  
GGCAACGAGGTGGACGATGATCACTAAAATGAACCTACTCAACATTGCTGTAATTACAAGCATACTGGTGTTG  
TTTGTTGCTGAGGCTACCACAATTTGTATAAAGTGTGAGCTGATTTCAATGTTGGGCCAAATCACCAGTACAG  
GAGAGAGGCTAGGAAAATGGGTTTCAGTTATCAGTAGTAGATTTGATTTCTAGGAGTCTGCTAACAAAAGGGC  
TCCTTGCTCTCCCTTTCTCAGCAAAACAAGACATGACAGCCAGAATCAAGGACATAACCATTATTACTCTTCCA  
TTTCCTTTTCCCCCTTTTCTTTTTCATTTGATATTTTATCCCAAATATGTGTCCGTACTATCTAAAGGATCTAGGA  
CTTTTGGTCGTGAGTATAATAAATTAATAGTAATATGAAAAGTGTATTCTATTTTATTACCTTTGTAGTTGTTA  
ATTCTATTCTAATTGTTATGAGATTCATTTCTAAGTCTGTAACCAAACCAAAGAACGTAGTTCGGTTGGGAA  
ATGAAGGGTGATAAAATCTAATTATATTTTCGAGATTATATTTTCGAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1308 HM122527|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL11) mRNA,  
complete cds

AAATCAAATCCCCTTCTTAAACCTCTCCTCAACTTCATCCACTTGCTCCCCAAGGAACCTTATTCCTTTTGATTC  
CATCTTCGCTAAAAAAAAATTTATTTTTCTTTTTTCAGCTTTAACTAGCGCTTTGATTCTTCTGAAAACAGGTA  
ACAGGGCGAAAGCTTTCTTTTCTTTTCTGGGTTTTTCCACAGAGTTTCGATGATTATGAATGGGATTTAGAG  
GATTCGAGAGAAGGTTAGAGATTGAGGATGAAGATTCAAGTCTGTGAGATGGCTGAAGCCACCGT



TCTGTGTTGTGCTGATGAGGCGGCGCTGTGCTGGGCCTGTGATGAGAAGATTCATGCGGCCAACAAAGCTTGC  
AAGCAAGCACCAGAGAGTTCCTCTCTCTGGTTCTTCATCTCAGATGCCTAAATGCGACATCTGTCAGGAAGCTA  
GTGGATATATCTTCTGTTTAGAGGATCGGGCGTTACTTTGCAGGAAGTGTGATGTTGCCATACACACGGCAAA  
TACTTATGTAAGTGGTCACCAACGCTTTCTGCTTACTGGTGTGAAAGTGGCACTTGAGCCTACCGATCCTGTTG  
CTTGTTCTTCATGGCTAAGTCACATTCTCGAGAGAAGTCTACTGAACTAAAGTTAGACCACCATCTGAAAGG  
GAATTCTCGATGCCTTCTCCTACTGAACTCAGCAGAAGCCTGTCTGTACTAGGTGGATCTGAGGACTTTATGGC  
AAATAGAACGTTGCTTACCGGAAGCGGGGATTCTGGTCTGGTGGCTTTTCACAGTGGCAAATGGATGAACTT  
ATTAGTCTTACCGGATTCAATCAGAACTATGGGTATATGGACAACGGATCATCCAAGGCTGATAGTGGAAAGC  
TTGGGGATTCTGATTCATCACCAGTTTTGAGAGCTGCTGACATTGAACTGGACGATGACGATGAATGTTCCGGG  
TCAGGTTCCAGAAGCTTCCTGGACTGTGCCTCAGATCCCTCTCCGCCTACAGCGTCAGGCTTATACTGGCCAA  
GGAGTTACCATAATTCTATGGATGGTGTGTTTTTGTCTGACATCTGTTCTTCCGAAAGGTCAACATTGCT  
CACGTAATGGTACATTTTCGAAACGAAGAAGACAGTTCTAGA

>trans\_c\_1309 XM\_002885596|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata enoyl-CoA hydratase/isomerase  
family protein, mRNA

TTGGATTTACGGCTTCACAATTCTTATTCAAATCCTCTACGCTTCCTCTCTCTCAAACCTTCCTTCACTCACTCTC  
TTCCACATCCATTCTAATTCCTTTACGGCGAACCTTGGCAGCCATGGCCGGCACTGATGATCAGTTTGTCAA  
AGGCAGCGTTCATCCTAATGGCGTCGCTGTTATTACTCTCGATCGCCCCAAAGCTCTCAATGCCATGAACTTAG  
ATATGGATATACAATATAAAAAGTATCTTGACGAATGGGAGGAAGATCCAAGGGTCAAATGTGTCCTTGTCG  
AGGGCAGCTCACCTCGTGCTTTTTGTGCAGGAATGGATATTAAAGGGGTTGTTGCTGAAATTCAAAAGGACAA  
AAACACTTCTCTTGTGCAGAAGGTATTTACAGCAGAGTATTCTTTAATATGCAAAATTTCTAATTACAAGAAGC  
CTTACTTGTCTTCATGGATGGAATAACCATGGGATTTGGGATTGGCTTATCAGGTCACGGTCGTTACAGGAT  
CATAACTGAGAGGACTCTCCTTGCCATGCCAGAAAATGGAATTGGTTTGTCCAGATGTTGGGTTTTCATACA  
TAGCAGCACAAGGTCCAGGAGAAGGATCGGTTGGTGCATACCTTGACTGACTGGTAAAAGAATTTTCGTCGC  
CATCTGATGCACTATATGTCGGTCTGGGAACACATTATGTTCCATCTGGGAACCTTAGGCTCACTGAAAGAAGG  
GCTCTTGACTGCTACCTTCTCCGAGGATCCGCATCAGGATATAAATACGCTCCTGACAAAATACAGTAGTGACC  
CTGAGTCTCCACCATCATTGAAGTTACTCTTACCTCAAATAAATTATCCTTCGGGACCAACAAGTCTGTTAAGG  
AGACAGTTGAAGAACTAAAAAACACCAACTTGATTCATGTTCTTCAGTGGTGGAGTGGGCTAAAGAGTCTCT  
TCAAGGAATAGGAAAGGGTGCTCCCTTTTCACTTGCATTGACACGGAAGTATTTCTCAAAGTTGCAGCTGCA  
CGTGGCAAGAGTAACGACGAATTATCCACTCTGAATGGTGTATGAGAACTGAATATCGTATTGCCTTGAGAT  
CTTCCTGCGCAATGATTTTGCTGAAGGAGTTCGAGCAGTTTTG

>trans\_c\_1310 NM\_148389|Arabidopsis thaliana RNA binding (AT4G32175) mRNA, complete cds

TTGCGCGTATGACTTCTCTCTTTCTGTTTCATCGCTCACCATTCTTCTGATCGCCGCTTGCAAGTACAAGATTT  
CTTTTACTTGTATCCGCAGCAATGGTTGAAAAGCCCTCTAGTTCGTCATCTACTCTCGTTGATCAGCCAGTTGTT  
CCAGGAGATGTGGTCTTGACCTCTCAAACATGACCAACGAGACCATCAAGCTTGGAGGCGGTCTTCGACAG  
GACCAAGATGCTATTTCTGTCTCCAAAGTTGGAAAACCTTAGTTTCTCGAAACCAACAAATATTGGGTTGAAA  
GCTCACAGAAAAGGTACGTGCCATGTGCGGAAGATTGTGTCCTTGGAATCGTGCTTGACTCTAGAGCCGACA  
ATTTTCTTGTTGACATAAAAGGTCCGTCATTAGCTTTTCTTCCGTTCTTGCAATTTGAAGGAGGAACAAGGCGA  
AACATACCAAAATTTGAGATGGGTGCCCTGCTTTATGTGCGCGTAGTGAAGGTAAACCCTGGAATGAATCCTG  
AGTTGGCATGCACTGATGCAAGTGGGAAAGCAGCTGGATTTGGCCTCCTGAAAGATGGCTTCATGTTTGAGT  
GTTCAACTGGCTTATCAAGAATGCTTCTAAGTTCTCCCCACGTCCAGTTCTTGAATCTCTTGGGAAGAAGCTTT  
CATTCGAGACAGCAATTGGTTTAAATGGCCGCGTTTGGGTCAATGCTGATTCTCCGTCTACAATCATTGTTGTT  
TCAAATGCAATATTGAACTCCGAAACTCTGTCTGGTGTTCACAGAGAATCATGGTGGACAAACTCCTTGCCA

ATTAAAGCTGTCAAGTTAAAATTCTAATTTATAGTCATGTATTATTTAACTCAAGTCTTACGAAAACAGTAACC  
AAATCTTTTCTTCTCTTTGAAATTGAGAAAGATTCACGATTTAATTGTATTCATTAGCTCTCAAGTAAAATGGCT  
ATTTGGTCTACTTGTTAAGGAGTTATTGGCCCCGAAAAAGAATTAAAGATAGTGTGTGGATCAAATTTTCATAA  
TTCTATTTGTTTAGCAGATGTACCTGAAGGGAAAGAAGAGCAGACATACTCCAAATTTAATTTTGTTAAATTGT  
TCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1311 FR669117|Vitis vinifera mRNA for calcineurin B-like protein 01 (CBL01 gene)

GCTCTCAATTCCAATTCCATTACCAAATTTTCTCCTTCTTCAGGATCCTTTCCCCTCATTTTGCTCTCTCCTCT  
AACAATCTCTCCCCTTCTCCTTTGATTCTCCGCCACACCATTCCTGTGAAACAGAGGAGGCAGCTGTTGGTTTT  
GCATATTCCATTATTTTTTCCAGTAAATGGGCTGTGTTCCGTCTAAAGGAAGAAGGCATTTCCCTGGCTTCGA  
GGATCCTGTTTTCTTGCTTCACAAACGACTTTTAGTGTGAGCGAAGTTGAAGCTCTATTGAGCTTTTCAAAA  
GCATCAGCAGTTCGGTGATAGATGATGGGCTAATAACAAGGAAGAATTTTATTGGCTCTCTCAAGAACAG  
GAAGAAAGAAAACCTCTTTGCAAGCCGGATCTTTGATCTATTTGATGTGAAGCACAAAGGAGTTATTGATTTT  
GGTGACTTTGTTAGAGCGCTCCATATATCCATCCAAATACTTCTATGGAAGACAAGATAAATTTTTCATTTAG  
GCTTTATGACTTAGATAGTACGGGCTTTATCGAACGAGAAGAGGTTAAGCAAATGTTATTAGCACTTCTTGGT  
GAATCTGAAATGAAGTTGGCTGATGAGACCATCGAGGCGATTCTTGATAAGACATTTTGAAGCGGATACA  
AAGCAAGACGGGAAGATCGACATGTCAGAATGGCAATATTTGTTTCCAAGAACCCTCGTTATTAAGGATCA  
TGACACTCCCTTATTTAAGGGATATAACGACAGCATTCCCGAGTTTTGTGTTTTATTCTGAGGTGGATGAGGCT  
GCTGCCTGAAGAACTACATAGAATTGGAATTGTGATTAGCTAGATTACCTGTTAATGACATATTTTATTTTG  
GTTATTCTTGAAACCAAACAGTTTGAAGGTGAAATAATGAGGGGGAAAAAAGAAAGAAATTAATAAAAAA  
AAAACAAAAACTATAAGGATTTTAGATTTTTTTTCTTAGAAGAATTTGGGAAAAGTCCTGTGTGAGCAATA  
ATAGTGCTCGGTTTTATGTAAAGCATCTTCATCTAACTTTGCAGTTAACATTTACATTACAAAATACATTCCTT  
TTTTCTTCTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1312 AY323226|Lycopersicon esculentum fructokinase 3 mRNA, complete cds

GCGGCGCCGCGAATGTTGCTGTTGGCATAGCTCGTCTTGGTGGCTCATCTGCTTTTATAGGCAAGGTTGGTG  
CAGATGAATTTGGTTACATGCTTGCTGATATATTGAAGGAAAACAATGTGTGCAATGAAGGGATGCTGTTTGA  
TCCTGGTGCACGAACTGCATTAGCATATGCTACATTGAGGAGTGATGGGGAGCGCGAGTTCATGTTTTATCGG  
AACCTAGCGCTGACATGTTACTTCAGGAATCTGAACTCAATTATGATTTAATCAGGAAGGCAAAGATCTTCCA  
TTATGGTTCTATCAGTCTTATTACTGAACCATGCAAGTCTGCTCACATTGCTGCTGCAAAAACCGCAAAGATG  
CTGGTGCAGTCTTTCTATGATCCGAATCTGAGGCTCCCTCTGTGGCCTTCTGCAGATAGTGCAATTGAAGGG  
ATTCTGAGCATATGGGATACCGCTGATATTATTAAGATAAGTGAAGAAGAGATTAGTTTTCTGACAAGAGGAG  
AAGATCCATTTGACGATGCTGTTGTTTCGTAAACTGTTTCATCCAAATCTTAAATTGCTTCTGGTCACTGAAGGTC  
CTGGGGGTTGTAGATATTACCAAGGAATTCAGTGAAGACTGAAGGGTCTAAAGGTGGATGCAGTTGACA  
CCACAGGCGCAGGGGATGCTTTTGTGCTGGCATTGTCTCAGCTAGCAACTGACCTCTTTGCTTGAGAAA  
GAGGATAAACTTAGAGATGCACTCCTGTTTGCTAATGCTTGTGGTGCATTGACCGTTAAGGAGAGAGGGGCC  
ATCCCTGCTTTACCAAACAAAGATGCTGTTCTGAATGCAATCTTCAAACTGTGGCCTAAGCTATTGGTTTCTCT  
CTCTAGGTCTGTATGTATAATATATCCAAGACTTTATTTTCCACAAATTTGGGCAGATTTTAGTCTCTCCCAATT  
GGTGCTGCTGTATGATATGGTTTAGCAGCTTGTGAAGTTAATTTGTAGATTGGATCTTCCATTGTATTGAAAC  
GATAATCTCTGCCATTTTATGGCAACGAAACAACGAATGATGTGGCTCTTGTTGCTCCAATGTTTCTTCAGATTT  
TGATTCTAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1313 NM\_001085295|Arabidopsis thaliana CPL4 (C-TERMINAL DOMAIN PHOSPHATASE-  
LIKE 4); phosphoprotein phosphatase (CPL4) mRNA, complete cds

TTGGACCCCAAGAAGGAGTACTTCAGTTCCAAAGTTATTTCTCGGGATGATGGCACTCAAAGCATCAGAAAG  
GTCTTGATGTGGTGCTGGGTAAGGAAAGTGCTGTTCTGATCCTCGATGATACTGAAAATGCATGGACAAAACA  
TAAAGAAAACCTAATATTGATGGAGAGATATCACTTTTTGCTTCAAGTTGTCGTCAATTTGGCTTCACTGTA  
AATCTCTATCTGAGTTGAAGAATGATGAGAGCGAACTGATGGGGCACTGACAACCATCCTGAAAGTTCTGA  
AACAAGTCCATCATATATTCTTTAATGAAGTCTCGGGTGATTGGTTGATAGAGATGTGAGACAGGTACTAAA  
GACTGTTCTGTCTAAAGTTCTCGAGGGATGCAAAGTCGCTTCAGCCGTGTTTTCTACCAAATTTCAGGCTG  
AGAACCATCATCTCTGGAAGATGGTAGAGCAGTTAGGAGGCACTTGCTCAACCGAACTCGACCAATCCGTCAC  
ACACGTGGTCTCGACGGATGCTGGAAGTCAAGTTCACGTTGGGCTTTGAAGGAGAAGAAGTTTCTGGTCCA  
TCCACGGTGGATAGAAGCATCAAACCTACTTCTGGAAACGACAAGTGAAGAGAAGTTTACCCTTGAGCAAAC  
CAAAGTCGAGCAAACCAAGAAACAATGACACCGTTTCTGTTTATTACTGTAGTAGTTCCACATATCACTTAAAT  
GGATCATGGACATGTTGGGGTGGGGTTTGCATTCTGTGCTCTTAGTGTTCCTCCCATAAATATTACTTAGGACT  
CTCTCACCTTATTTGTAGGTCAGCGTCTCATTTTTGAAGTAACCTTAAATCAACTTCAAGGGTTGATTGAAAT  
TCAAGCTCTTTTGGTCTCTGTAGATGTGTAGATGCGTTGCTTTGTAACCATTTTGGGTTGGGTTATAATCATAG  
GGCGTGTTATTTTTGGCTTGTAATTCATTTAAAAAAATTTCAAGCCCTAACCACTATGATTCTGTATTTGTA  
ATTCTGCTAATGTATTTGTCTCATATCAAAGACAGCATTAGTTGATAAGTTTCACGACGGAAAGATCAGTGTTA  
GAATTTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1314 EU117119|Nicotiana benthamiana serine palmitoyltransferase long chain base  
subunit (LCB2) mRNA, complete cds

GAGGGCTAATTATTAGCGATTCATTGAACCATAATTCAATAGTTAACGGTGCTCGGGGATCAGGTGCTACAAT  
TCGTGTTTTTCAACATAATACTCCATCACATTTGGATAAAGTTTTGAGAGAGCAAATTGCTGATGGGCAACCTA  
GGACACACAGGCCTTGAAGAAGATAATTGTTGTCGTGGAAGGCATTTACAGCATGGAAGGGGAAATATGC  
AAACTCCCAGAAATTGTTGCCATTTGCAAGAAATATAAGGCCTATGTCTATTTGGATGAGGCTCACAGCATTG  
GAGCAGTCGGAAAAACAGGAAGAGGTGTTTGTAACTTTTGGGAGTGGACACTGCTGACGTTGATATCATGA  
TGGGAACTTTTACTAAATCATTTGGATCATGTGGAGGCTATATTGCAGGATCCAAGGAGCTTATCAAATATCTC  
AAGTACACATGTCCAGCTCACCTCTATGCTACATCTATATCACCACCAGCTGCTCAGCAAATCATATCTTCCATT  
AAAGTTATTCTTGGAGAGGATGGATCTAGTAGAGGTGCTCAGAACTTGCCAGGATACGTGAAAACAGTAAC  
TTTTTTAGGTCTGAGCTACAGAAAATGGGATTTGAAGTCTTGGAGATAACGATTCTCCAGTAATGCCTATAAT  
GCTTTACAACCTGCAAAAATCCTGCTTTTTCTAGGGAATGCCTGAATCAGAATGTAGCTGTTGTCACTGTTG  
CTTTCCAGCTACTCCTCTTCTTCTGGCAAGGGCTCGCATTTGCATATCTGCTTCGCATACAAAGGATGACCTCC  
TTAAAGCCTTAGAGGGTATCAGTCGAGTTGGTGATTGGTTGGTATAAAATACTTTCCGCGGAGGCCAGAA  
GCAGTCTGAAAATGATGATCCTCATAAGGAGGATTAGAAAGTAAAGGAAAAGGAGTTGAAAAAGAAATTGTT  
TCAAATGTGCGTGATGAACGTTGGTAGATGGAGCTTGTGTGCAGACAGCTCCTCACATACTTGTACGCGAGG  
TAGAGACCAATTGGGTTTGTGTGAATACTGGAAAAGTTCCGAATCTGTATCTTGTACTTTAAGTCTGTAGC  
CATATATGACAGACATGATGCGATCTTCATGAATTTTTGGTATAAT

>trans\_c\_1315 AY039860|Arabidopsis thaliana AT5g27210/T21B4\_120 mRNA, complete cds

AACGATCGATTGAGCTGGTGGAAAAATTTTGAATTCATTTCTTCACTTCAAATATTGAATCGACGATCTTCT  
TATGGAAATTCGGAGAGATCAAGGTTCAAGACCGTTGCTCCCGATTCTGTTTCCACCAAGTTCAATTCACCC  
TAGACCATGGGGATTCTACTTCAAGTTCCTACAGTTGGCTTTTCCAGTGCCATGGATTTTGGTACAACTGTTT  
CTGATTGTTCTAGTCTTCTTTTCTGTTCTCTACTTGGCATTTGGGCCAAAAAGAGTTTGTCCAAGCTCTCCAAT  
GGTCGTTCTTATATCATTGTTGCATATTATGGGACTCTTGGATTGTCACCTTGCTTAACCTCGCTTGGTGCTTG  
TTTCAGGGGTGGGAATGCAGCTCTGGAAAAGAATTAGCATGGAATGTCTTGTCTTAGCCACGACATCTGGAA  
TGCCATTCTTGAAGTGAGTTTGTGGCGTTTTTATTTCAAGGAAATAATGTGGGCAGTGTAGAAGCGCTTGC

ACGAACATTTATCGTGTCAAGGAATTTTGTGGCCTGGACTTGGTTTTGAAGGCGATTTATTTGTTTGGGTTTG  
GAGTTCCATTGTTTCGTATTAAGTGACGACAGTACACATGGAACAAAGTGGAACTTGTGGGTGCTCCACCGTCT  
GTTGATTACTGCAGCTTATGGTTTTATATTGTTTCATGTACCATTCAAGCCATAGAGAGAAATTACCAGCAAGAC  
CTGCTTTCTACAGATACGTAGTTATCATGGCCTCTTTGAACGCATTGGCACTGTTTGCTTGTTGGGCTCGCTGGA  
AGTGGAGCTGGTTTTGGTTATTGGTTGTATGGTGCCACTGTCGTCTGTTATCATGCCTTCTATCTTCCCCTTCTG  
TACGAAAATTTTCTTGCCGACTTCTTCCAGGAGGACGATTTGCATTTGGAGAATGTATACTATTCCGAGATGAA  
GGACGCTGGGTTTTTTGACACCGATTGGGAGTGAGGATGACGATTCCGAGGTTGCTACTTATGTAAATTTAC  
TCAAATATATGTTAATGGTAAAGCAAGATGCAGGTAAGAATCTGGAGTGAGATTAATGTCTAGTGATGAAGC  
TAATCTTCAATGTTCTATGAAATCCTGCCTCTTCTT

>trans\_c\_1316 DQ787057|Glycine max bZIP transcription factor bZIP125 (bZIP125) mRNA,  
complete cds

CCCCTTTCCCTTCTTCCCCAACCTCCATTTCTCATTTCAATCTTCTTCTTGAGATTTTTCTTCTTCTCTTTTTCTC  
CATTTTCCCATCTGGGTTCTCCTTCTTCTCTCAGATTTGTTTTTGGTCTTCTTGATGTTTCATTACTCTGTTCTTG  
ATGTTTGAAATTCATGCATCAAATTCAGTGAACACATCCTCCTTTCTGGTTGTATGATCATAAACTCCACATT  
CCGTCGTCATCACCTCGTTCAATCCTTCTCCGTTGTTTTCTTTACTTCTTATACTATGTTTCATGATTTTACCCCA  
TTTTAAACAATACCCACATACCCAAATTCATAATTTCAACAATCAATCGATCTTATTACTACTCTTTTGTTTTTG  
TTTTTTTTTTTTCTTTTTGCTTTGGGAATTTCTTCTTAATGGCTTCTCTAGCGGAACATCTTCAACTTCTTCAT  
CCATGGAAGAAGGGGAATTAGCAGCGTTGATGGAACAGAGAAAAAGAAAGAGAATGATTTTCAATCGGGAA  
TCGGCCCGGAGATCCAGAATGAGGAAGCAAAAACATTTAGACGATTTAATGGCTATGGTCACTCAACTCAGA  
AAGGACAATCAACAATAGTCGTAATCTCGCCGTACCACACAGCACTACGCCGCCGTCGAGGCTGAGAATT  
CCATTCTCAAAGCTCAGGCCGCCGAATCTCTACCGTTTGCAATCCTGAATGAGATCCTCGCTTTCTTGAACC  
CCTCTGATGGGGTTTTTGATGACGATACTTATGGCTGCTGCAACGGCGGCGACGGCGCTGGTGGCGGTGGAG  
GGTTTTTAAATCCTTGCAAATGGCTTTTTATATGAGCCAGCCTCTTACGGCTTCTTCAAGATGTATTTCAAGAGT  
ACTGAAATTTGGGTTTCTTTTTTTTTTTTCTTCTTTTCTTAATGGTATGAATTTTCTTGAATCCAAACAAGCA  
GAGAGAAAAAAGAGAAAAAAGAGAAAAAATGGTTTAGGGTTTTGATTTGTCAATGAATAAGAAA  
TGGGATAAAATGTGGGTTATTTTGGGTCTCAATCTTTACTTAAATTTATGTACTAAGAGTAATTGGGAACCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1317 FJ543466|Solanum lycopersicum N-acetyl-glutamate synthase mRNA, complete cds

AAGGAAGATTTCACTCGGTATAATGATTCAAATGGGAGTATTCATCTGCAGAATGGAAAGGCTTCTTTGGAAG  
ATTATACTCCATTCCAGAATGGGGTAGGTTTTGGCCCTAATCATATGCCAGTATTTCAAACCGGAGTTGGTTTT  
GGTCATGGAACCGGGCTTTGGTCCTCTGAACAGGGGTTCCCATTTGGAGGTGAGCGGAATAGCCATATGAAT  
GGTTACCTCTCAGAATTGGCTGCTGCAGCTTTTGTGTCGGGGTGGTGTTCAAAGAGTACATTTGCTAGATG  
GCACTATTGGAGGAGTTTTATTGCTTGAATTGTTAAGAGAGATGGAATGGGCACTATGGTAGCCAGTGATCT  
TTATGAGGGAACACGAATGGCCAGAGTGTCTGATCTTCGTGGAATTAGACAAATTATACAACCTTTAGAAATG  
GCTGGTACCTTAGTTCGTAGAACTGATGAAGAGCTACTTAAATCATTGGACTCGTTTGTGTTGTTGAGAGAG  
AAGGTCAAATCATTGCATGTGCGGCTCTTCCCCTTCTTTGAAGAGAGATGTGGAGAGATTGCTGCCATTGC  
AGTTTCTGCAGAGTGCCGAGGACAAGGGCAAGGCGACAAATTGCTTGATTACATGGAAAAGAAGGCCGCCTC  
ACTTGGACTGGATAGGCTCTTCTGCTGACAACACGAACGGCAGACTGGTTTGTGAGGCGTGGTTTCTCAGAA  
TGTTCAATTTGAAACAATACCTGAAAAGAGGAGAAGTAAGATAAATCTATCTCGAAAATCGAAGTACTACATGA  
AGAAGCTGTTGCCAGATAGGAACAGGATTGGTAGCGTCGATAGAGCGTTTGCTTGAGGATTGACGGAGCCTT  
GAAGAAGCAGTATTTCAATCTATATGTTGGTCAGGGAGGAAAAAATATACCTCGACCATAAGAAAGCAAAAT  
TTCCTCTTGATTCTCACGGTCCTTGTTTTATCCTGTATCAATTGTCAGTCGTCACCTTGCTTACCCACATGGGTG

GTCATATGATTTGTTTACCAAGACATGTATATATTCTGCTGAAAAATATTTGATTATAGGTCTCCTTATAAAGT  
TTTGATTGTCTACAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1318 NM\_001060079|Oryza sativa Japonica Group Os04g0560200 (Os04g0560200)  
mRNA, complete cds

TCTCAATCGTTCTTTCCCATTCCTCTCTCCATTTCTCTCACTCATGGCCACCCAACCGTAGCAAACGCCAGACTT  
TCGCCCCAACTCCGCCACCGTCCCTGTCTCCGAGGCCACGACCACGCACGCCGTCTTCGTATATCCGCCTTTG  
CCCTATCCGCCACAGCCCAGAATCGCCGCTGACGTTCTTCAAGCTCGTCGCTGCCGCGTAATGACTTCAGTTAG  
AGGTCTTGAAAAGTTGGGTAGTTACTATGATTCTCTAATTGGAACGACGTGGAATGCATTTTATGGAATCAC  
TAGCTAGAAGCCTAGAAAAGGAAACATAATCACTTCTTCACTACTCAAATCTGGAAGCAGTAGTCGCCGTA  
GCCAAAAGGAGATGGAGGACAAGGAGAAGAAGGGGCTAGAAGGCACTGGTTCGTGTCTTCCAGTCAATCAC  
CATGGCAACTTGAAGAGTGCTTCTAGCGATCAAGATTTCAAGGATGTTCTTCTTCAAATCAAGTCTCCAAAAC  
CACTGCAGTTATCAATTATGGGGCATCTTGGTGTCTGTGTGCAGTCAGATTCTTCCAGCATTTTGTCTGATTGA  
GTAACAATTTTCCGAAAGTTTCTTTCATCTATGCAGACATTGATGAATGCCAGAAACAACCTCAACACATTCGT  
TACACTCCGACATTTCATTTTTACCGTGACGGTGAAAGAGTGGATGAGATGTTTGGTGCTGGGGAGGAACGA  
CTGCACGACAGGTTGTGGTTGCACTCTTAAAGACAAGATAGGTTGAGCACCATATTATTATCCCTAATTATTAG  
GAAGGAATGCTATATAGCTACATTGCTAATGGCTTTGTTTTGGTATTTGATCTTCAAAGATTGAGCTTGTTTGT  
GAATCTCATTTTCTTGATAAACATAATGGTTTGAGCTAGTTTTTCCCCTTTGAAGGCATGTATGTAGAACAGT  
TACGGTTGTTGATGTTAGGTTTGTGTTGATTTGATTAAGTTGCTACATGCTCGTCATGTATCGACTCCTGATCA  
AAGTCAAGTTTTAAAGAAGTATACCTATATAGTAAATTTATAATGGGTACGTAATTTCTGCTTACATTTGTTA  
TTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1319 NM\_001125595|Arabidopsis thaliana VPS22 (VPS22) mRNA, complete cds

GGGAATTTTCTCTAATATCTTCCTCGTCCCCAAAATAAGATCGGTAATTGTTGGTTCTCAACTTCGTTGAAGAA  
CCCGCTTGAGTTCAATAAAATATCAAGGCATCCGATCGGAGCAACAAACCGAAATCGGAGTGAAAATGAGGC  
GGAGACCTGGCATTGGAGGCTTACAGACAGCCGCGGCGGCGAGGGACCAATACCGCCAGCTGGGTGAAAAT  
GTAGCGAAGCTCCGAAGTATGATGAAGGAGCAACTCTCCACCTTTCGATCTCAGTTGGAGGATTTTGCTC  
GCAAACACAAGAAAGATATCAGTAAGAACCCGGCTTTCAGATCACAGTTCCATGAAATGTGTGCTAAAGTTGG  
AGTAGATCCCTTGGCCTCAAACAAGGGGTTTTGGGCAGAGCTATTAGGCATTGGTGATTTCTATTACGAGATT  
GGAGTGCAAATTGTTGACATTTGCTTGTCTACAAGACCCACAATGGGGGTTTGATTAGCTTACAAGAACTGT  
GTACTTTGCTTCGGCAGAGACGAAAAAGTGATCGTGAAGCTGTTTCTGAGGATGACTGTCTGCGAGCTATAAG  
TAACTGAAGATACTGGGAAGCGGTTTTGAGGTAATTACTGTTGGCAAGAAAAAACTTGTTCCGTCAGTTCCG  
ACTGAGTTAAACAAGGATCACAATGAAATTCTTGAGCTTGCGCAGGCTCAAGGCTATGTAAGTGTGATGAGG  
TAGAGAGACGACTTCTTGACATCTGGTCGTGCAGTTGATGCCCTTGATACTCTCCTAGATGAAGGTCTTGC  
GATGATTGATGACGGCCACCGTGATGGTAGACGTCGCTATTGGTTTCCTTGTGTTTCTCCTATCTCATCTTCTCT  
CACAAGTATGCTTAAGTATGATAATTTCTTTAGGAAACAAAGTACTTTGTAGTTTGTGCTACGGTAGAATCACA  
AAGAAAATGTATTCTATGCCTTTTGTTCGATGCTATTGTTTTTATTCCCTTTGTTTTATTTATTATGTTAGTTGA  
ACCTTGATGGAGAATGCATAAAGGAAAAAACACGTCTTCAAATAAAAAAAAAAACATCATATATAGTTTACATG  
TGAAGATATTTCAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1320 NM\_129647|Arabidopsis thaliana DPE2 (DISPROPORTIONATING ENZYME 2); 4-  
alpha-glucanotransferase/ heteroglycan binding (DPE2) mRNA, complete cds

TGTAACACAGAGAAAAAATCGCCTCCAACTGAAGTCACTTGTTGAAGAGACACAGTTGCAAAACCCAGACC  
AGATACGACGCAGTCTTTTTGATCTTATACAGAACATAGTTCTTATGAGAGACCCAGAGAATCCAAGAAGTTTC

TATCCACGCTTCAATCTTGAAGATACTTCTAGCTTTAATGATTTGGATGATCACAGTAAGGATGTTCTGAAAAG  
ATTATACTATGATTACTACTTCCATCGGCAAGAGGATCTTTGGCGGAAAAATGCTTTAAAGACCTTGCCTGTTC  
TCCTGGACTCTTCTGACATGCTGGCCTGTGGAGAAGATCTTGGTCTATTCTTCATGTGTTTCATCCTGTTATGG  
AGGAGTTGGGATTAATTGGTTTACGGATTCAACGTATGCCGAATGAACCTGATCTAGAGTTTGGGATACCTTC  
TCAATATAGCTACATGACTGTGTGCGCTCCATCCTGCCATGACTGCTCGACTTTGCGTGCTTGGTGGGAAGAA  
GACGAAGAAAGAAGGCGACGGTTCATGAAGAACATTATAGAATCTGATATATTGCCACCTAGCCAATGTATTC  
CAGAGATAGCATATTTTCATCATAAAGCAGCATTTTGAAGCTCCATCTATGTGGGCTATCTTCCCACTTCAGGAC  
CTATTAGCACTGAAAGAGGAATACACAACACGACCTGCAAAGAGGAGACGATCAATGACCCTACAAATCCA  
AAGCATTATTGGAGATTCCGTAGTCATGTGACATTAGAATCTCTAATGAAGGACAAAGAACTCCAAGCAACCA  
TCAAAGGTCTTTCCCTTGAGAGTGGAAGATCGGTTCTCATGATGAAGCCAAACCAGCATCAAAACCAATACC  
TGATAGTGTGAAGCTAAGAAAGAAAAGAGTTCTCTAGCAACAAAGTCTAATGGAATACCACAAAAGGAGAC  
ACTCGCAGTCACATAAATGCAAACAGATTTGAGGTAAGTTTTCCCAATTGTACAATAAAACAATTCGAGATAG  
CGATGAAATAATAGCTTCTATGAACGTTGTATGAACATGTGCTTCTTCTAAGCCTGCCTAAAAAAGGAAATTA  
AGTCTTCTCTGTGTTGGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1321 NM\_179847|Arabidopsis thaliana ATGSL03 (GLUCAN SYNTHASE-LIKE 3); 1,3-beta-glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATGSL03) mRNA, complete cds

TCTCCGTTTCTATGTCCAATTTTCTGCCATTTTTCTCGGTGATTGTCACATTTCGCAGTCAGTCTCCTTCCTCC  
GCCTTCTTGCTTGGCGCTGTGTTTCTACTTCTCTCAAGCTCCTCTCTCGCTCCAACCATTTGATTTGGTGTITA  
GTACTGGATAAACATGGATCAAGAAGGGGTTGCGATCAACAACCGGGTAAGAAGATCATGGGAGCCCAAA  
CACTTGAGAATTTATCTGAGTCCATGATGGATAGTGAGGTGGTTCCTTCTTCACTTAATGAAATTGCGCCAATT  
CTTCGTGTTGCTAACGAAGTCGAGGCAAGTAACCCGAGGGTTGCTTATCTATGTGCGATTTTACGCATATGAAA  
AGGCTCACAGTTAGATCCACATCAAGCGGACGTGGAGTTTCGCAATTTAAACAGCACTTCTTCAGCGTTT  
AGAGCGGGAAAATATAACAACATTAGCTGAAAGGCAAAAGAGTGATGCGCGTGAAATGCAGAGCTTTTATCA  
ACATTACTACACAAAATATATAAAAGCCTTGAATGAGGCTGACAAAGCTGATCGTGCCCAACTGCCTGAAGTT  
TATAAACTGCTGCAATCCTTTTTGAAGTTTTGAAGGCTGTGAATCAAACAGAGGCTATAGATGTAGCTGACG  
AGATTTTGAAGCTCACCAAGGTTGAGGAGAAACAACAGATGTCTCTTGACAATCAAAATTAGATAATTAC  
GAGAGTTCTTGAGGAATCTTTAGGTGAGAGAGAATAGTAGCTGAGCGATAAACGTTGGACGAGGAGACACG  
CGACAACCTGGCAATAAGAGAAAAGATGTTAGGTGATCTATATTGCTAGGAGTAGAAAATGGTTGGCACGAA  
TGTCATGGAGCCAATGATGCTCAGAGGCTCGACCCGCATATCAAGTTTCCACGTATATTTTCTTTTATTTTGT  
TTTGTAAATTTGAACATCATAGCCGAAAGGCCTAAAATTTTATTTATGAACGCAATTCCTACTATTTTCGTTCTCT  
CATTTCTTTATGTCTTCACTTTACTAGTTCTTTGTAACCATGATAAGACACAAGTTGTAATTAGTACTAGAGATG  
CTTGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1322 NM\_112201|Arabidopsis thaliana FUS9 (FUSCA 9); protein binding / ubiquitin-protein ligase (FUS9) mRNA, complete cds

AAATCTAATGGTGGGAAATCGAGACCAACGGCCGCAATTGCCTCCGTTAGGTGGGGGAAGATCGTCTTCCTC  
AATCTCCTTAGCTGCTCCAACCTTCATGGGCGTCCACGACCTCGGTCTCTGCTTCGGGCAAGAGAATTCAAAGA  
GAAATGACTGAGTTTAACTTAGACCCGCTTCCGATTGCTCCGCTGGCCCTAAGGGCGACAATCTTTACCACTG  
GTTGCTACCATCTTTGGCCCTTCAGGTACACCATATGAAGGTGGCATATTTTTCTGGACATAATTTTTCCAAG  
TGATTATCCATTTAATCCTCCAAAGGTTGATTTAAACCCGAATCTACCACTGCAATGTTGATTCCACTGGTAA  
TGTAAGTTTGGACATTTTGAAGGATAACTGGAGTCCTGCGTTAACAATCGCAAAGGTGTTAATTGCAGTGAAA  
TCAATTTTCGTAAATCCCAACCTTATGATCCAAATGCTCCTGGTGTTGCTCACTTGTACCTGGCAGACAGAGCT  
AAACACGACGAGATAGCTGCTGAGTGGACGCTACGTTTCGCCAATGAATGGAATCTCAAACCACTGATATAC

>trans\_c\_1323 NM\_120170|Arabidopsis thaliana signal transducer (AT4G40050) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1324 FJ026009|Prunus salicina ethylene responsive transcription factor 1a (ERF1a) mRNA,  
complete cds

ATTCACATTCTAATTTCTCTGTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAATTTTTATTAAATTTTGATTTT  
TATTGAAATTAAAATGATGTACGGACAAATTAACGGTTTTGAATCCGATTTTGTTCTTCTTGAACCATTCGCC  
GTCATTTATTGGGAGATTCAAGAGCTTTCCGATGTGGGAATTTCTCCCTTGCCGGAACCTACCTCCCCTGTTTTCT  
GTCGGAGCTCAAGTTTCGGCAGCTTGTACCTTGTTTAACTGAAAATTGGGGCGATTGCTCTCAAAGAGGA  
TAATTCCGAAGACATGCTCCTCGCCGGCGTCTCCGCGACGCCGTCAACGTCGGTTGGGTTCCGTCGCTTGAG  
ACTTCAATTTTGATTCTCTGATGTCAAGCCGGAGCCGGAGATTCTCTCTCCGGTGAACATCTTGCCCGAAGA  
ACGGAGCTCGGGTTGGCTTGGGACGTTTGAGACGGCGGAGGATGCGGCGCTTGCTTATGACCGGGCTGCTTA  
TCGGATGCGTGGCTCAAAGCTCTTCTTAACTTTCCACTTCGAGTTAATTCGGGTGAACCCGATCCGGTTAGAG  
TGACGTCAAGCGGTGCTCACCTCGATCGTCACCGGAACCTACTTCGTCTTTGTCGTCGGTAGAGAGTGGGTC  
ACCTAAGCGACGGAAGAAGGCGGAAGGCACCGCGGTGTCAACGCCGGAGTTGAATCAATTAGTGGTGGGGA  
CCATTGGATTGCAAGTGGAAGCTGATGTGGCAAATGTACAAGTGGCGAGTAATGATTGGGAGGACTAGTG  
GAGATAGTGAAATTTAGAAAAAGGCAAGAAGGAGCACTTGAGATTATAAAAACCAAACCTTAAGACAAAA  
TTTGTAATTATTTTTGAGGACATATTCTAGGGATAGGATTGGTAGAATTTCTTTGGATGTTTCAAATTTTGG  
GCATTTTATTTTAAAAATTATAAAATTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAATTGGTAC

>trans\_c\_1325 NM\_117020|Arabidopsis thaliana catalytic/ metal ion binding / phosphoglycerate mutase (AT4G09520) mRNA, complete cds

>trans c 1326 EF364435|Vitis vinifera aquaporin PIP1;4 (PIP1;4) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1327 NM\_118959|Arabidopsis thaliana ULT1 (ULTRAPETALA1); DNA binding (ULT1)  
mRNA, complete cds

ATTCCTCTTCAGTGTGTCTCTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTCTCTAATGTCATATCATATCATGCAAG  
AAGGGGCATAACAATAACCCCCCTCTCGCACACGTCATTGCCTTCCCTTATACCCAGGTCTCATTTCTTCATTCAA



TTCATCCATCCCTCCAACTCCAAAACCAACCCTTTAATTTTCCTCTCTTTCTCCATCCATGCCTTCCTCAAGATCTA  
TCTCTACCCTTTCAATATGACCGCCTATCCAGATTCTTTCTATTTTCCATAAATAAAAAAACCCACCAACCCCA  
TATCTTTTTTTACCTGAATTTTTCTGGGTTCTCTACGCTTTCTTCGATTCTCCCCATTCCGTTTCTGGGTTCAA  
TCTAGATTTCTGATTTACAGAGTTAATCGGACATTTCGAGTGGGAGATGGCTAGTGGGGTGGATGAAAATGGG  
TTGGTCTTGTTTTCTAGCGAAGAGTTGAGTGAGATGAGTGGGGTTAAGTTCCGTGGAGATTTTGTTGAAGTCA  
CTTGTGGCTGTACTAGTCATCGATATGGCGATTCTGTTGGAAGGTTGAGGATTTTGTTAATGGTGAACCTGA  
AATCACCTGTGAATGCACTCCCGTTGTCATGAAGACAAGATGACTCCTGCTGCATTTGAAAAGCACTCCGGA  
AGAGAAACAGCAAGAAAATGGAAGAACAATGTTTGGGTCATAGTTGATGGAGATAAGGTTCCGTTGTACAAG  
ACTGTTCTTCTCAAATACTACAATCAGGCACTAAAAACAGCAATGGATCCAGTAGATCCCAAAACGGGCGAG  
CGTGTCAACGTGATGAGTTTGTCGATGTAGCAGTTGTAACAAGGAACGCAGATTTGACTTAGGACAAAAGA  
GGAATGCCGAATTCACCATGATGCTTTGGCAGATAGTGATTGGAGTTGTGCTGATCTACCATATGACAAAATA  
ACATGCGACACTGATGAAGAACGAGCGAGCCGGAGGGTTTATAGGGGATGCATCCGATCACCACATGCAAG  
GGATGCACTTCCTGTGTCTGCTTCGGCTGTGATATATGTCGATTTTCAGATTGCAGCTGCCAGACCTGCATTGA  
CTTTCACAGGAACGCAAAAGCTTGATTGAATCT

>trans\_c\_1328 AF158253|Nicotiana tabacum patatin-like protein 3 (PAT3) mRNA, complete cds

TAAATGGGATGCGTTAAAGAATCCAAAACCTGGCTGATGTTTGTATCAGTACCTCCGCCGCTCCCACTTCTTAC  
CTGGTCATGAATTTCAAACCTAAGGACTCTAAGGGAAATACTCGTAACTTCGATATGGTTGATGGTGGAGTCGC  
TGCAAATAATCCAGTAAGATCGACCTAATTTCCACATTATATATTTTGTTAAATTTGTAGTTTACTCAAGTTTA  
AGCTTTTGGATTGAATTATTGGTGATTTTAAGACTCGTTTTGGTGAATGTCTAACTAATATATATGTGTATTGTG  
ATGGTCGATTGTTTAGACATTGGCTGCATTGACTCATGTGACAAAAGAGATGAGCATCTTGAGAAACAGAAGT  
GAACTTTTGAAAATAAAACCCATGGAAGCAAAAAGGATGTTGATCCTTTCTTAGGAACTGGTGTGGCTAAAA  
ATGATGAGAAGTATAGTGACGTATAGCTTCAAATGGGGCATGCTTGTTGGATCTATCATAGAGGAGCAA  
CACCATTGTTGATATTTTTAGTGATGCAAGTGCTGATATGGTGGATTATCATATTTCTAGCATCTCCAGTCTG  
AACATAATCAAAAAAAAATAGGGAGTATTCAGGATGACACATTGAGTGGTGTGATTTTCGTCAGTGGATATTGC  
AACCCAACAAAATTTATTAAAGCTCATTGAAGTTGGAGAGAATTTATTGAAGAAACCATTGTCAAGGGTAAAT  
TTGGAATCTGGAACTTTGAGCCACTTGATGGAGAAGGAACTAATGAAAAAGCACTTGCAGACTTTGCTCAAA  
TGTTGTCTGATGAGAGGAACTGCGATTGAGCCCTTGAGGCTATCTAATACCCATTTTCATCAATTTATGCCCTT  
TTTTCTGTCTTCCATGGATTGAAGCGTCACCTCTTTTAAGCATTTCATACTTCAGTCCAATAAATTGTAAACTA  
TTTATAATATTTTTTTTACACCATGTTATTGTTTTATTTCTGACTATTCAAGAAATGATTTTATATTTTCATCGC  
TTCTAGTTTTAATCGATTCTATATTGTTGAGTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCGG  
CCCCCAAAACCTTAATCAATCCCGCCAACCCCA

>trans\_c\_1329 AY004240|Glycine max phosphoglycerate mutase-like protein (PGM) mRNA,  
complete cds

ATTGATGTGGATTTCTTTTTCTTCAGAGCTTCTTTGTTATTTCTCGTCGTCTAGATCGATTCTGATTTTGATTTTT  
GAAGTATATATGGACTCTGCAGGAGGTCTGAGTTGTACCCGTCGCACCGTTGTAAGACTATTCACCTGGTGA  
GGCACGCGCAGGGAACCTCATAATGTTGCAATGGAAAAGGATCGCAGTTTGCTTCAATCTTATGATTATTTTGA  
TGCTCAACTTTCCCTTTAGGATGGCAACAGGTTGACAATTTGCGGAAGCATGTGCGTTTCATGTGGAATTCG  
AAGACAATCGAATTAGTCATCGTCTCCCGTTGTTAAGGACAATGCAACAGCAGTTGGAACCTTTGGTGGTG  
ATGAGTACAAAGATGGTATAAATGCTCCTCATTAATGGTAGCAAACGTTGGGGCAGCAACCATCCTGCAAT  
TTCAAGCCTTCACTGTCCACCATTTTTGGCAGTAGAGCTTGCAGAGAACGTTTGGGTGTTTCATCCATGTGATA  
AGAGGAGAAGCATTAGCGAGTATCGGACTCTTTCCCTGCAATTGATTTTTCCATGATTGAAAATGATAATGAT  
GTCATGTGGACACTAGACAACAGAGAGACAAATGACCAGATTGCAGCAAGGGGACTGAAGTTTCTGAATTGG

CTGTGGACTCGGAAGGAGAAAGAGATTGCAATCGTCACCCACAGTGC GTTCTTATTTGAGCTTATGAAATGCT  
TTGGAAATGACTGCCATCCATCTATAAAGAGCGAAATCTGCAAATATTTTACAACTGTGAGCTTCGATCCATG  
GGTATTGGTCAAAAGAGTATGACAGGTTTCAGATATCTCAAGGACTAATTACCCTGGCAAAATTCCTCGAGGCC  
TCGATCTTCCAGTGACGTTGCCACAGAGAAGCAACCATAGAGAGGAATTACAAATGGTGTTGAAGCTTGAA  
GGAGATGAAGCTTGTGAACGCAAGGAATGTGGTATTTTTCGATATTCTTAATTCAATTATATCATTTTCATTTTT  
GGAGGCTTTTTTTACTTCAAAATTCAGTTAGGCATTATTTAGGCCATGGCTTCTTGTCTCCATGACACATGTTTC  
TGTCCATATTTTCATTAGTTGTGGGGTATATGTACTC

>trans\_c\_1330 NM\_124726|Arabidopsis thaliana ACP1 (ACYL-COA BINDING PROTEIN 1); acyl-CoA  
binding / lead ion binding (ACP1) mRNA, complete cds

AAGCCAATTGAAACCGATGTCGGGTCGGGTTCTGGAGATTTTGGGTTTCGCGCACGAGGTTGACTCTGTCGTC  
GCCGAGCATGGCAGTGTTAGGAATGACAGTATTGGTGGGAGTGATACTGATGATGATGATTGGGAAGGGGT  
GGAGAGCACCGAATTGGACGAATTGTTACGCGCGGCCACTGCTTTTGTGCGCCTCTGCAGCTGACCGGCTT  
TCACCCAAGGTATCCAATGAAGTACAGTTGCAGCTTTACGGATACTACAAAATCGCTACCGAGGGGCTTGCA  
GCACGCCTCAGCCGTCTGCCTGAAAATGACCGCTCGAGCTAAGTGGCAAGCGTGGCAGAAATTGGGTGCTA  
TGCCTCCTGAAGAAGCGATGCAAAAGTACATTGATATAGTTACTGAGTTGTTCCATCTTGGGTGGCTGGTGC  
AAGTGGGAAGAGCAAGATGGAAATGCTGATGCTAGAAGTAAAGATTCTAGAGGACCAATGGGGCCCGTCTT  
CAGCACTTTTGTATATGAGGAAACCGGGAATGAGTTGGAGCTGGAAGATATTCATGGCTTTGCTAGAGAAGG  
AGAATTGGAAAATTTGCTCAAGTGTATAGAAAATGGTGTTCAGTGAATATCAAGGACAGTGAAGGCAGGAC  
CCATTGCACTGGGCAGTCGATCGTGGCCATTCTAATGTTGTGGAGCTGCTTGTAGCAGGAATGCTGATATT  
GATGTTAAGGACGTTGATGGCCAACTCCATTACATTATGCTGTGGTATGCGACCGAGAAGGGATTGCCGAAT  
ATCTTGTGAAGAACAATGCTAGCGTTAGTGAAAGAGACAACGATGGAAAGTCACCTTGTGATATTTGCGAGTC  
TAACTGGCCTTTTCATGGTCTCTGCAAGAAGTAGAAATTTGGCAGATGATTTTATCATGTTCCGTGTGCCTTTCT  
CCTTCTATCTTCTAATTGATTATTTACATGTTCTTTTGAATGTAAATACTCCCATGCATGGCCTTTTCTAAC  
AGCAACAACCTTCTCATTATAAATAGATTTGGAGTATTTATCANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGACACCTCAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1331 AY660967|Populus tremula x Populus tremuloides Cel9A mRNA, complete cds

CAGTGCAGGTAATGCAGAAGCTGCAATCTTCTACAATTCAACAAGTTATTGGGATGAGTTTGTGTGGGGTGGG  
GCTTGGTTGTATTATGCTACTGGAAATCTAGTTATCTCACTTTCTACCACTCCTGGCATTGCCAACATGCG  
GGTGCTTTCTGGGGTGGACCTGATTATGGAGTGTGAGCTGGGACAACAAGCTTGCCGGGGCTCAGGTTCTT  
CTAAGTCGTTTTCGACTTTTCTTGAGCCCTGGATATCCATATGAGGAAATCTTGAGGACTTTCCACAATCAAC  
GAGCATAGTCATGTGTTCTACCTGCCATTTTTCACAAAATTTAATCGTACTAGAGGAGGCCTAATTCAGCTAA  
ACCATGGAAGGCCACAACCTCTTCAGTACATCGTCAATGCAGCCTTTTATGCTACCTTTACAGTGATTACTTG  
GAAGCGGCAGATACACCTGGTTGGTACTGTGGACCAATTTCTATTCAACTGAGGTTTTGCGTGACTTTGCCA  
AGACCCAGATTGATTATATCCTGGGAAAAAACCCCCGTAAGATGAGCTACGTTGTTGGTTTTGGCAATCATTAT  
CCAAACACGTGCATCATAGAGGTGCATCAATCCCAAGAATAAGATCAAATATACTGCAAAGGAGGATGG  
AAATGGAGGGACACAACAAGCCTAACCCAAATACACTTGTGGTGCCATGGTTGCTGGTCCGGACAGACGT  
GACGGGTTTCACGACGTTTCGACCAATTATACTACACTGAGCCAACTCTAGCTGGAATGCAGGCTTGGTTG  
CCGCACTCGTTGCACTGTCTGGTGAAAATAGTGAAAAGGCAACTGGAATTGACAAGAACACCATATTCTCTGC  
TGTGCCTCCCATGTTTCCAACCTCCACCACCTCCAGCCCTTGGAACCTTGATCATATATGACTCATTCTTCT  
GGAAGCATGTCACGTAAGTTGCAGAAATGCTGTTGGTTGTGGTTGGATTTTGATACTGTCTGTGAGGTGAAA  
CTGAGGACTTTAGTGCAAGAATGTAAAACAATATTTCTTGGCAGAGAAACCACAAGCCAAATGATTGAGATAA  
ACTATAAGGATTTTGGCTTAGGGAGGAGATGGGTGTTTT

>trans\_c\_1332 AB040439|Medicago sativa mRNA for glutathione S-transferase, complete cds

ACCTCTCCTTTATTTTTTATATAATTCATCGTTTCTTTCCACAAACCCATCTCCAATTCTCCCCGATCTTCTCTATT  
TTCAAATTTTCATCGTTGAGTTTTTTTTCTTTGTACTATCAATGGCTGGTGCTATCAAGGTTTCATGGAATCCCCAC  
TTCCACAGCCACTGGTAGGGTTCTTGCTGCCCTTACGAGAAGGGTCTTCAATTCGAGCTTGTGAATGTCAAAT  
TACACGAAGGAGAACACAAGCGAGAGCCCTTCTCTCGTTGAATCCCTTTGGTCAAGTTCCTGCATTCCAAGAT  
GGAGATCTGAATCTTTTTGAATCAAGAGCGATCACACAATACATCTCTGGAAATTACGCCAGTAATGGAACCC  
AGTTGATTCTCAAGATCCCAAGAAAGCAGCTGTTGTATTAAACATGGATTGAAGTAGAGAGCCACCATTTTGA  
CCCAGTAGCCATGAACTAGTGTTTCGAGCTTTGCTTAAAACCAGTTTTTGGGTGGGGTGATGCCGATCCTGCA  
GTTGTTGCGCAAAGCGAAACTGAATTAGGCAAAGTCTTGACATCTATGAGAAAAGACTGTCTGAATCCAAAT  
ACTTAGGAGGTGAGTCCTTCAGTTTGGCTGATCTACACCATCTCCCTGTTTTGGGCTACCTGTTGGCCACACAA  
TCCAAGAACTGTTTGAATCTCGACCCCATGTCAATGCTTGGGTAGCTGATATCATAGCCAGGCCATCCTGGG  
CTAAAGTCTTGAACCTCGCAAGTAAATTGAGTCTTAGACGACTTTGGATCTAAGTCTTCACTTGATGTGTGT  
GTTTCAATCATATCATCATAAACTGAATAAAAAGGCTGTGTAGTAGGTAGTCTTCTCCATGTATTGGAGATTAC  
TGTCTTTTCTTCTTTCATCTTTGGTTTTAGAGTATCTTGTATTAAGACTGGTCTTCTGGATTTGATTTTATGA  
ATATGAATTAGATCTCTGTGATCAATCTTCAGAAGAATTGTGTTTGTGTCTGTGCGTGTGTGTTTTTAGTACATA  
TGAATATTGATAGGAACACTTTGAATGAGTTGCTAGAAGTTTGGAGAAAGTCACTACAGATTGACGGAAGAA  
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1333 NM\_128811|Arabidopsis thaliana diene lactone hydrolase family protein  
(AT2G32520) mRNA, complete cds

TTATCGTTTTTGAAGTATAGAAACAGGGGTCTCCGTTCTCGTATGGTATAAGGCGCTGGGAAATGTTATTTT  
CAATCATAAGGTCTTCGATTTCTTCAGGGTCACTTCTCAAAACCCCATCAATCATCTCTACTCCTTACAAGCTAA  
GCTCCTCACTTTCTCGCTTCTCAGTCCGCTCCATGGCTTCTTCTCCCTTTCAAGAAAATCCAAATTCAGAGAG  
ATGGCACTGAATTTGATGCTTATGTTGTGGGGAGAGATGATGCCCTGCCATTGTTGTGCTTCAAGAATGGTG  
GGGAGTGGATTATGAAATCAAGAATCATGCTGTGAAAATATCTGGGCTTGGATCTGGTTTCAAGGCATTATT  
CCAGATTTGTATCGAGGAAAGGTCGGGTTAGATGCTGCTGAAGCACAGCATCTGATGGATGGTCTCGACTGG  
CAAGGTGCTGTTAAGGATATCCATGCTTCAGTTAACTGGCTCAAGGCTAATGGCTCTAAGAAGGTTGGTGTA  
CTGGATACTGTATGGGGGGTGCACTTTCAATTGCAAGTCTGTTTTGATTCTGATGTTGATGCTGTTGTTTCAT  
TCTACGGAGTTTCTTCATCAGAGCTTGCAGATCCTGCCAAGCTAAGGCACCCATTCAAGGCTCATTTTCGGAGA  
GCTTGATTCTTTGTTGGCTTCTCTGATTTGACGGCTGCCAAGAACTAGAGGAAAAGCTGAAAGAATCAGGA  
ATTCCATATGAGGTGCATATATATAAAGGAAGTGGACATGCTTTCATGAACCGATCCGAAGAAGGTGTGAAG  
AGGAGGAAGAACATGGGAATGAATGACGAGGACGATAATGCAGTCGAAGTCTGTTGGTCTCGATTGCAATCC  
TGGATGTCAAAATACCTCTCAGCTTGAAGTGGTTTGATTTTCATTCCAAATCCCCCTTTCGTCTTAATTAACCTT  
CTAGTTTATGGCCCATCACATAAGCTTGTGTTGCATTCTGGGCACTGATTGTGAAAGTGGAAGGTAACCTTGT  
TTGTGTTGCGCTCTAAAGCATATGCTTGTGAAAAGTATATGAATAATATGGTCTGACGTTTGAAATTTTAACT  
GCGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1334 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

TCCCTGCGGATGCTAACGCAAATAGTAATTCATCTTAACAATAGGGCCCCGAGACTTCTTGGTTCATCAT  
GCTATTGCTTTAGGTTTACATACAACATGATTGATCTTAGTAAAAGGTGCTTAGATGCACGTGGTTCCAAATT  
AATGCCGGATAAAAAGGATTTTGGTTATAGTTTTCTTGCACGGTCCGGGACGAGGTGGTACTTGTGATATT  
TCGGCTTGGGACGCCTTTTATTTGGCAGTTTTCTGGATGTTAAATACCATTGGATGGGTTACTTTTTATTGGCAC  
TGGAAGCACATCACATTATGGCAGGGTAACGTTTCACAATTTAATGAATCTTCACTTATTTGATGGGATGGTT

AAGAGATTATCTATGGTTAAACTCTTCACAACTTATCAATGGATATAATCCTTTTGGTATGAATAGTTTATCAGT  
CTGGGCATGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTGGGCTACTGGCTTTATGTTCTTAATTTCTGGCGCGGATA  
TTGGCAAGAATTGATTGAACTTTAGCATGGGCTCACGAACGCACACCTTTGGCTAATTTGATTTCGATGGAGA  
GATAAACCAAGTGGCTCTTCCATTGTGCAAGCAAGATTAGTTGGATTAGCCCACTTTTCTGTAGGTTATATATT  
TACTTATGCGGCTTTCTTGATTGCCTCTACATCAGGCAAATTTGGTTAATTTTGTATGTGTTGTATCCGCGAAAA  
TATGTAACTTTTACGCCATAAGGAGATCTTCCTTCTTATATTTCTACATCTAGGATCCGACTTGATAGTAACTA  
TGATGATCCAATTGAATCATTATGGCAAGGAAAAAGTTTAATTCAGAGGGAGAAGAAGAGGCCAAAAAATTGGAA  
CAAAAATCGACGGGTCGGATGAGATCCTTAAACAAGAAATAAGCAAAGTCCATCGTTGAGTGAGAAATGG  
GAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCTACCGCGTAATAGTGCACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTAAC  
CGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGGCTCTCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCACGT  
ACACATGTTGCACCATGTTGCAACAGGTGTGA

>trans\_c\_1335 XM\_002309995|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

GTTTGGAAAAGCCAAACGGAGGTGAAGTTCTGCTTGGGGAGCACAACGTGTTGCCTAATTATTTTGAACAAA  
ATCAGGCTGAGGCACTTGATTTGGAAAAGACAGTGCTTGAGACAGTGGAGGAAGTTGCGGAGGACTGGAGA  
ATTGATGATATAAAAGGTCTCCTCGGACGTTGTAATTTTAAACTGAGATGCTTGATAGGAAGGTTTCGTATT  
GAGTGGAGGGGAGAAGGCACGCCTTGCACTTTGTAAATTCATGGTAAAACCATCAACGTTGCTGGTATTGGA  
TGAACCGACAAATCACTTGGATATACCTTCAAAGAGATGCTCGAGGAGGCAATAACTGAATACAGTGGCACT  
GTCATCACTGTTTCTCATGATCGTTACTTTATAAAGCAAATTGTAAATAGAGTCATTGAAGTTAAAGACGGAAA  
TTTACAGGATTACGCGGGTGACTACAATTATTATCTGGAAAAGAATCTGGACGCCAGGGAAAAGAGAGCTAGA  
ACGTGAAGCAGAGCTTGAAGAAAAAGCTCCTAAGCTTAAAGCCAAATCCAAGATGTCTAAGGCCGAGAAGGA  
AGCACGAAAGAAACAGAAGATGCAAGCGTTTCAGCAAGCGAAAGCGAAAGCTAAATCAAAGGACTAAAGA  
ATGCGAAGAGATGGAATTGAATGAGACATATTTTTTTTAAAAAAGCTCTCATCAAGAAGTTATTTGTTGAA  
ACTAATGATACTGATAGAAATTAGAAAGCCTAGGAGGAGTAGCACACTGTGAGCCAGATTCTCACCTTTGTC  
TATAATGTATAAATAGAATCATAAGCTCTTTATTTGGATTTCTGTAATGGAAAATCTTATCCTGTGTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATACCAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCC  
CCCCCCCCAAAAAATATTTAGCCGCCCTCCCCGGGGGGGGGGGCGCGGTACCATTGCCCCCGAAGGGGGGAA  
AATATTGGCGCCCCCTAGGCGGTTGTTTTAAAAAAGTCCGGGGAAAAAAACCGG

>trans\_c\_1336 NM\_115074|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein  
(AT3G52150) mRNA, complete cds

TCAGGGTTCTGTGCTTTCTTCACTCTTTCTCTCGACTCGAGCTCTGCACACCAAAAATGGCTTCCATCTCATCC  
ATACTAACCCTACCAATCTCATTACACCCCCAAAAAACCCACCGAAATTTACAAGCTTTATCCTCTCAATTT  
CTCCGGCCAATCTCCTTTACCCCTCCTCATATCCTTCTCCGCATCTCTCCGTCGCCGCCAGACCCCCACGAGA  
CTCTTCGCCGTTGCAGAAGCCGCGACGCAGGGTGCCAGTTCGGTGGCGGAAAGGAAATTGTACATTGGGAAC  
ATACCTAGAAATGTGAATAATGAGGAGCTTACTCGGATTGTCCAAGAACATGGGGCTGTGGAGAAGGCTGAA  
GTCATGTATGACAAATACCCTGGGAGAAGTCGCAGATTTGCCTTTGTTACTATGAAAACAGTTGAAGACGCAA  
ATGCAGCAATTGAGAACTGAATGAGACAGAAGTCGGAGGACGAAAAATTAAAGTTAACATAACAAAAAA  
CCTGTGGTTAATACAGTTGACCTGTCAATTCAGGCAGAGGAATCTCAATTCATTGACAGTCCTTACAAAGT  
ATATGTAGGAAACATTTGAGTACAGTTTCTACCGAAACACTCAAAAATCTTCTCTGAGAAGGGTAAAGTTC  
TCAGTGCAAAGGTTTCACGGGTTCCAGGTACCTCGAAATCAAGTGGCCACGGTTTTGTTAACTTCTCTTCAGAG  
GAGGAAGTCGAAGCTGCCATTTTCATCTTTTAAACAATGCTTTGTTGGAAGGCCAACCAATCCGTGTAAACAAGG  
CATAAATTTGTAGGGTTCTATATAACAAAATGTTTGGAAGTTTCACTTTTGCCTCTTGGTATGAAATTGATGAA

CAGCAGAGGGCAGCTTTTTCACACAATTTCTCTAAAATTTCTGTATTCATATCATTTAATGTATAATCTTGTTTAT  
TTTTCTGTTTAAGCATCAAGTCTAACTTAATTAGACTTAAAAATGCTAATCTTTGATTGCATTTCAAAATATTCA  
GAAAATCATAAGTAATCATTCATTTATAACATATGATATAACCGGGTATTAAGTGAAATAGGAAATTTGGGAT  
ATTTTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1337 NM\_105319|Arabidopsis thaliana PMI2 (plastid movement impaired 2) (PMI2)  
mRNA, complete cds

AAAAATTAAAAATTATTGGGCTAAAAGGGAAACAAACCTCAAATTCGAGAGAAGAAACCACGGAAATGGGG  
AATACCATCGGAGGGAGAAAGAGAGTAAAGGTAATGAAAGTGGACGGAGAGATTCTGAAATTCAAATTACC  
GATTAGAGTTTCTGAAGTTTGAAGGATTATCCCGATCATGTTCTTATGGAATCGGAGGCCGTTAAGCATTAC  
GGCGTTAAGGCCAAGCCATTGGAGCCGCAACAGGATTTAAACAAGAAGAAGATTTATTTTCTTTACAGTTGC  
CCAAATCGCCGCCGATAATCGTGCCCCCCCCGATCGGATTCCGAGAAGAGTCCGTTCTCCGGCGTCCATAT  
GTCCGCCAAGGACCGTCTCGACCTTCTCATGCTCTCCCGCCGACTATGTCCGAGATTGCTATTACTAGGCCTT  
CTTCAACGGCGGCCACGGTGGACTCCTCTGCTCAGCCGCGCTTCCATGGCGGCCCGATGCAGGTTAAGATGAA  
GATTCCGAGATCGCAGGTCGCGAAATTGATGGAGGAGAGTGCAGGTGAAGGAGAAATCGCTGAAAAGATTA  
TTAATATGTATTTGAAGAACGAGGTCAATACTGGCGGCGGTAGTGCCGGTGATGTTAACGCCGGTCAACAGG  
CGGAGCATTGGAACCGAGCCTTGTTAATAGCGTTCGGGAAAATTCAAAGGTTTCATCGCGAGAAACGAGTGA  
GTTTCTTACCAATGGATAAAGGAGAAATTCATTTAGCTGTAGCAAACAGTCAACAGTAGACACAAGTTTTGAA  
TTGAGAAAGGAGGAAGAAGGCGAAGGAAACAAGACGTTGAATATTATGTGGTTTTTGAGAGCATATCCATCC  
ATGATCTCTTTCTCAATGGCTTAATTTTATAGCTCTTAAATATATAAATTCCTCCCATATATATGAGGAAAAGTT  
GTACTTAAATCAGGTCATAACTTTCATACAAAAAGTAGAAGATCACGAGAGATATATTCAAAGCCCAGCCCTA  
ATTCAAATGCTATATATATATGGCAGAGAGATGTTAAGGTTTTGGGTGAGAATTAGTGATTTAGAATAGAGATGT  
TAATTACATTATTATATATATAGATTTGTACATGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1338 X79332|S.tuberosum (Desiree) FeS1 mRNA for Rieske iron-sulfur protein

TTTTTGGAATTTCTAAACCAGTTTTGAGGTTAAAAACACGAGTTTTGCACCCACTGCGTATCTTCTCCGAGT  
TTTCGTTATCCCTCCAAAATCCAAACCTGAAGTTTGACGAAGATGTTGAGGATTGCAGCTCGAAGGCTCTCGT  
CACTCTCTTCTTCGATTTTCAGGCCACCATCGCTTCTTCTTTGCCGGTTCTCACAACATCATTGATTCCGCTGA  
TTCCAATGATTTTCAGATCCGCTGGATTCTTCAACACTTTTCCCATCCGACCTCACTTTGATCGCAACTCTAGAGG  
TTTTGCTTCTGATGCATTGGCCTCAACCAAGGATGATGGCTTAATTATGGATATTCCTGCAACTGTAGCTGCCG  
TTAAGAACCCTTCTTCAAAGATAGTCTATGACGATTACAATCATGAGCGATTTCTCCTGGCGATCCCAGCAAG  
CGTGCAATTTGCTTATTTTGTATTATCAGGTGGTCGGTTTGCTACGCTTCTTGATTGCTTCTTGTCTCAAGT  
TTGTCCTCAGCATGTCAGCCAGTAAGGATGTTCTTGCTCTGGCCTCACTTGAGGTTGACCTTTCAAGCATCGAA  
CCTGGTTCTACCGTGACAGTTAAGTGGCGTGAAAGCCAGTATTCATCAGGCGGCGAACTGAAGATGATATT  
AAGTTAGCAAATAGTGTGGATATTGGATCTCTTCGTGACCCTCAGCAGGATGAAGAGAGAGTTAAAGATCCA  
GAATGGCTTGTTGTAGTTGGCGTCTGCACACATCTTGCTGCATTCCCTTGCCAAATGCTGGTGACTACGGTG  
GGTGGATTTGTCCATGTCATGGTTCTCATTACGACGTCTCTGGCAGAATCCGTAAAGGGCCAGCACCTACAA  
TTTGGAGGTACCTACCTACAGCTTTTTGGAAGGGAACAAGCTTTTGATCGGTAAAGAAACCAATCTCTACTTTT  
TGAAGTAATACCGAGGTTCAAGCCCCTCAATTTTATTTAAAGCAGATAAAAGTTGGAAGACATATTTTCTTTC  
TTTTTACTCCTTTGAGATTTTAGAAAAAGCTTTATGCAGTGAGATAAACTGTAACGTAACTGTAACATTTTCTTGGT  
TCATGAATGAATCTGAATAATTTTCTG

>trans\_c\_1339 NM\_001049294|Oryza sativa Japonica Group Os01g0281400 (Os01g0281400)  
mRNA, partial cds

>trans\_c\_1340 DQ787063|Glycine max bZIP transcription factor bZIP41 (bZIP41) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1341 NM\_101150|Arabidopsis thaliana S1 RNA-binding domain-containing protein (AT1G12800) mRNA, complete cds

AGAAGTGTCCAAAAAGCTACATTATTGGGTAAACCAAGAAGATCATTCTTCTGAAGAACTCCAAAACTCAATAGAGAAGAGGCATCCACCCCTGAAACTGACCTCAATGGTGCTCTTGAGACAGGGAGCTTCTCTGCTATCCCTGCTTTGGAGGAGCACGAACTTGCTGACTGGACAAAAGCAGAAGATCTGGCTAAGTCAGGAGATAGAGCTGACGTGGAAGTAATAAGCTCAAGTACTCGAGGTTTTGTTGTATCATTTGGCTCCCTAGTAGGATTTATTCCATATCGTAATCTTGCTGCCAAGTGGAAGTTCTTAGCTTTTGAGTCATGGCTAAGACAGAAAGGTTTGGATCCATCAACATACAAGCAAACTTAGGAACTATTGGAAGTAGTGGTGGTGGAAAGCCAGGCCTTTGCCAGTACTAGGTCAGAT

TTCAGAAATTGATGTAAAAGATGGGGGAGAACTTACACCTGATATGAAATTGGAGGATCTTCTTCAAATTTAC  
GATCGAGAGAAAATCAAATTCCTGTCATCATTTGTTGGCCAGAAAATCAAAGTAATTGTGGTGTTAGCCAACA  
GAAAATCGAGGAAGCTTGATTTTCCATGAGGCCAAAAGAGAGGGAGGAATTGGTCGAGAAAAAAGAAGT  
TTAATGACAACACTGCAAGTAGGTGACGTTGTCAAATGCTGCATTAAGAAGATTGCTTATTTTGGTATCTTTGT  
CGAGATCGAAGGAGTCCCTGCTTTGATTCATCAGACAGAGATTCTTGGGATGTTAATTTGAACCCTGCATCAT  
ATTTTAAAATTGGTCAGGTTGTAGAGGCCAAAAGTTCATCAGTTGGATTTTCCCTGGAACGCATATTCTTATCG  
TTGAAGCAGATTACACCAGACCCGCTAGCTGAAGCATTGGAGTCTGTGGTTGGTGATCATGATACCATGGATG  
GAAGATTAGATTACGCCGAAGTAGATACCGAGTGGGCTGATGTAGAATCTCTCATTAAGGAACTGCAAATA  
CTGAAGGTATTGAGGCTGTATCCAAAGGGCGTTTTTCTTAGCCCTGGTTTGGCTCCGACTTTTCAGGTATAT  
ATGGCTTCTATGTATGAAAATCAGTACAAATTTACTTGCTCGATC

>trans\_c\_1342 AY570536|Alyssum montanum chloroplast ATP phosphoribosyl transferase (ATP-  
PRT1) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GCTCGTTTAATATATCCACGCGGGCGACGATACGGCTCGCCGAAGACAGAGAGTCCCCGCGGCAACCATAC  
CGTCATTTGTAGCCGTAAGTAGTGCAATTCGTTCTATCTTCACTACGTCGTCATTCGCACTGCCTCCTGAAAGCGT  
CATCTTTCATCCGAAGCCATTTCCGCTGATCCTCTCTCTGTTTCTTGTCGTCGGCTATAGGGTTTTATTCATC  
CAACAAAGCTCTGGAAGCTTGAATTGGAATTGCGAGAGATGTGGGCGTTCACAGCATATTTTCAGCCGTCTCT  
GAATTCCCCCATTCCTTTCATTTCCATAAGCTCACGTTCTTCGCATTCTCGTGTTTGTCCAAAGCCAACACTCATT  
TGCTCTTCTTACAGTCTCAGGTTGAGACTCTTAATGGAACCACAGATGGGAGGATCTCTGAGAGAAATGAAA  
TTCGATTTGGGTTGCTAGTAAAGGTCGGATGGCGACTGACACCCTAGAACTTCTCAAGGATTGTCAATTATC  
AGTAAAACAAGTCAATCCGCGGCAGTATGTTGCAAATATCCCACAACTTTCGGGGTTGGAAGTCTGGTTCCAA  
AGGCCTAAAGACATCGTTGAAAATTATTATCTGGAGACTTGGACCTCGGTATCGTGGGTCTCGATACAGTGA  
GCGAATATGGACAAGGTAGTGAAGATCTTATTATTGTTACAGAGGCCCTTGAATATGGGGATTGCCGATTATC  
ACTTGCTATACCCAAATACGGCATTTCGAGAATGTAAATCAATCCAGGATCTAGCTCAGATGCCCCAGTGGA  
CCGAGTCGAAGCCTCTTCGAGTTGCTACTGGCTTTACTTATCTTGCCCCAAATTTCTTAGAGAAAATGGGTTG  
AAACACGTGAGTTTTTCAACGGCCGATGGAGCATTAGAGGCTGCCCCTGCGATGGGGATAGCTGATGCTATTT  
TAGACCTTGTAAGTAGCGGGACTACTCTGAGAGAGAACAACCTGAAAGAAATTGAAGGTGGAGTGGTTTTGG  
AAAGCCAGGCTGTTCTCCTTGCCAGCCGAAAGTCCTTGTTCAAAGGAAAGGTGCTTTAGACACAACCCATGA  
GATTCTTTGAAGACTGGAACACATCTGACGGCTG

>trans\_c\_1343 AY113032|Arabidopsis thaliana AT5g35570/K2K18\_1 mRNA, complete cds

TCATATAGTAGAGACACTACCAACTGCCTATGCCGAATTAGTGCCTTTCAACAAAACACCAATTTCTTGGTCCA  
AGATTAGTTACTATAAAGCAGAGGTCTTCCACTGCTGAAGCAGCACAAGGTCATGATTTTACACATACAGA  
TTCCCGGCTGGCTAACAAATGGCCTCCCAAGTTCTATACAGAAGTTGAGATGCCGTGTAAATTTCCAAGCATTAA  
AATATTCAGCTCCAATTGAAAACTGGGGAACATCTTGGTCTCTAGAATGCGACAGAGTGGAGGCCCTTATAT  
TGCTCTTCATTTGAGGTATGAAAAAGATATGCTTGCAATTTACAGGCTGCAGTCATAATTTGACAACAGCGGAA  
AATGATGAGCTGGTTAGAATGCGTTATGAAGTTGCCATTGGAAAGAGAAGGAAATCAATGGGACAGAGAG  
AAGGTTGCTCGGTGGCTGTCCGCTGACCCCCAGGAGACTTCACTTCTGCTCAGAGGGTTGGTTTTCCATCC  
AGAACCAGAAATATACTTGGTAGCCGGTGAGGCTTATGGAAATGGAAGCATGCAATATCTCAAGGATGATTTTC  
CCATTATATATTTCCATTCTACACTCACCACCGAAGAAGAGTTGAATCCTTTCAAGAATCACCAGAACATGTTG  
GCTGGGATCGACTATGTTGTGGCCCTTCAAAGCAATGTTTTATTTATACGTATGATGGAAATATGGCGAAGG  
CAATTCAGGTCACAGGCGTTTTGAGGGCTTCAAGAAGACCATAAGTCCAGACAAGGCGAATTTTGTCAAAC  
TGTTGATGAACCTTGATGAAGGAAAGATATCTTGAAAAATTTCAAGTTCGAAAGTGAAAGAACTTCATAAAAA  
CGGGCAGGGGCTCCATATCTTAGAGAAGCTGGAGAAATCCCCAAGTTGGAGGAGAGTTTTTATGCAAATCCC

CTCCAGGATGCATTTGTGATAAAAACAAAGAAAAGTAATGGCCAAAGAATTGACTTATATTCACCTGGACTT  
CTTCGGCTGCACAAGAAGTCTGGACACGTCTCTGCCAACAGCGATCACAAACATTCTGAATTTAAGAAAGCTCA  
CTCACTGGTTAGAGAATATTTTCATAAACGTGGAGAGGCACTTC

>trans\_c\_1344 NM\_119867|Arabidopsis thaliana MAP1D (METHIONINE AMINOPEPTIDASE 1D);  
aminopeptidase/ metalloexopeptidase (MAP1D) mRNA, complete cds

CTCTCAAATCAGATTTCTTCTGTTCTTTGCTGCCAAAAACCTGTGAAAAAGAATTAGAATCCTTGTCCTCCAATA  
CATAAATACACATCAATTCATCTTTAATTGCTGCAGAATTCCTCGCGGCGCTCTTCTCCTCTCTGTTTGCACCG  
CCGCACTGCCCCGTTTCGTGCACAACAACCACGACAATACCAGCTCCAGTGTTTCAGGCTGAGCTTGGAATTGTG  
AAAGAAAGCGAAAATGGTCGGAGCTTTGGTGTACGGAGAATCAAACTCTTCTCGTCCTTTCTGGGAGTTGGT  
GCTAACCATTTACTTCGCTCTCGGCTGCCTGTTTCATCAACTCTTTGCCAATAATCCAGGAGGCAAACATGTCTCC  
ATGCAATTACCCAAGGCGCTTTCTGGTTTGACCAACCTCTTCTTCAGTAGAAGAAATTTGGACGAGATGCAAA  
ATACGAGACGTAAACGTCTAAGACCTGGAAAAATTTCTCCTCGTCTACCTGTTCCAGACAATATACCAAGGCCT  
CCTTATGTGAAATCTAAACAACCACCTGGAATTGCTAGTGGACCTGAGGTGCATGATGAGAAGGGTATAGAG  
TGTATGAGAGCTTCTGGGAGGCTTGACGCCAAGTTCTAGAATATGCAGGGACATTAGTCAAGCCAGGTATTA  
TGACTGATGATATTGACAAGGCTGTTTCATCAAATGATAATTGATAACGGAGCCTATCCCTCACCTCTGGGCTAT  
GGTGGCTTTCCAAAGAGTGTATGCACCTCAGTGAATGAATGCATTTGCCATGGAATACCAGATTCCCGAGCTC  
TTGAGGATGGTGATATTATCAATATAGATGTTACCGTCTATCTAAATGGATACCATGGTGATACTTCAGCAACT  
TTCTTCTGTGGAGATGTTGGTGATGAAGCCAGAAAACTTGTCAGGTTACTAAAGAGTGCTTGGATAAAGCAA  
TATCCATATGCGCACCAGGAGTGGAGTTCAAGAAAATTGGCAAAATAATTCATGACCATGCAGATAAGCATCG  
ATATGGTGTCTGTCGACAGTTTGTGGCCATGGTGTGGACGTGTGTTTCATGCTGATCCTGTTATTCTCCACTT  
CAGGAACAATGATGGTGGGCGCATGGTGTGAA

>trans\_c\_1345 GQ358921|Glycine max phenylalanine ammonia-lyase 2 (PAL2) gene, complete cds

ACAACACTCGTTTGGTCGTTGCATCCATTGGAAAGCTAATGTTTGCTCAATTTTCAGAATTGGTCAATGATTTTT  
ACAATAACGGTTTGCCTTCTAACCTTTCTGCAAGTAGAAATCCAAGCTTGGATTATGGCTTTAAAGGTACTGAA  
ATTGCCATGGCTTCATACTGTTCTGAGCTTCAATATCTTGCAAATCCTGTGACAAGTCATGTCCAAAGCGCGGA  
GCAACACAACCAAGATGTTAACTCTCTTGGTTTAATTTCTCAAGGAAAACAGCTGAAGCCATCGATATTCTTA  
AACTCATGTCTTCCACATTCTAGTTGCTTTATGTCAAGCAATTGATTTGAGGCATTTGGAGGAAAATTTGAAG  
AGCACGGTGAAAAACACGGTGAGCCAAGTAGCAAAAAAAGTGTGACTACCTCTTCTAATGGCGCTCTTCAT  
CCATCAAGATTTTGTGAGAAAGATTTACTCAAAGTTGTGACAGAGAATACACTTTTGCATACATAGATGATCC  
ATGCAGTGCTACCTACCCACTTATGCAAAAACTAAGACAAATTCTGGTTGAGCATGCACTTAAAAATGGCGAG  
AACGAAACGGACACAAACACCTCAATCTTCCAAAAGATCGGTGCTTTCGAAGAGGAGCTGAAGGCAACTTTAC  
CAAAGGAGGTTGAAAACGTGAGGTTGGCATATGAGAATGGAAATCTAAAATTGAAAATCAAATCAAGGATT  
GCAGATCTTACCCAATATACAAATTTGTGAGAGAGGAGTTGGGAACAAGATTGCTAACCGGCGAGAGGGTAA  
TTTCTCCAGGAGAAGAGTGCGAGAAGGTATTCACTGCTTTAAGTCAAGGAAAGATGATCGACTCTATCTTCGA  
ATGCTTGAAGGAGTGGAATGGAGCACCATTCTATTTGCTAATTCTTATGCTCTATTAGTTGAATTGAACCGC  
AGCATTTTAAATTGTCCAAAGATAAGAACAGACATTTGTATTTGCTATTATTTACTCTTACTTGTTAAATCAGT  
TTTAATCAGAAATTGATATTATCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1346 DQ673106|Vitis vinifera germin-like protein 2 mRNA, complete cds

AGAATTTCCAATGTTCTAATCCATGTTTAAAGCTAAAACTAGACACCATTATAGGCTTTAATTTTCATATCATACCA  
GAATTGCCAAACAGTTCATATTTTGCAGATACTAACAATTTTGAATCAAAAACAGGAATCAAAGTAAACGGAT



TCACCTGCAAATCGAATTTCTCAGCAGACGATTTCTTCTTCAATGGATTAGCCAAATCAGGGCTCACCAACAAT  
ACCCTAGGATCGCGAGTAACCGGCGCCAACGTCCAATCAATCCCCGGTCTGAACACACTCGGCGTCTCCCTTG  
CCCGAATCGACTACGCTCCCGGCGGTCTGAACCCGCCACACGCATCCACGCGCCACCGAGATCGTGTTCTG  
CCTGGAAGGCCAACTGGACGTCGGTTTCATAACAACCGGTAACGTTCTGTCTCGAAACCGATCAAGAAGGG  
AGAGATCTTCGTTTTCCCAAGGGATTGGTTCATTTCCAGAAAAACAACGGGAAGGTACCGGCGGCGGTGATT  
GCGGCGTCTAATAGCCAGTTCCCGGGTACCCAATCGATTGCGGCGGCGCTTTTTGCCGCATCTCCGCCGGTGC  
CTGATAATGTGTTGACGAAGGCGTTTCAAGTTGGCACTAAGGAAGTCGAGAAGATCAAATCGAGGCTTGAC  
CGAAGAAGTAATAATGAAGATTGAGAATTGAAATTGAAATTGGAAGTGAAGATTTGTGTTTGAATTTGATT  
ACATTTGGTTGTTCTGATTGTATTATTATTATTGTATTTCTGTTTTCTTCTTTTTCTACACTGATTGATTAAATA  
ATAATTGGGATTGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCC  
CAAAAAATTTTAAAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCGGGCCCCCATTTCCCCCTAAAGGGGGGGTTAATTA  
CCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCCGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTTAATCCCTTTG  
GACAAACCCCCCTTTTCCCAGGGGGGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1347 FJ489609|Jatropha curcas 60S ribosomal protein L18a mRNA, complete cds

TTCGTAGCAGTTTGGCTATCGGCCGTCGAGAGGTAAATCGAAGCACCGATCTCTTTCAGATCTTCGAGTTTCAA  
AATGGTTACATTCAGGTTTCACCAGTACCAGGTTGTGGGGAGGGCTCTTCCTTCTGAATCGGATGAGCATCCC  
AAGATCTATCGGATGAAGCTATGGGCTACCAACGAAGTCCGTGCCAAATCCAAGTTCTGGTACTTTTTGAGGA  
AGTTGAAGAAAGTTAAGAAAAGCAATGGTCAAATTCTTGCCATTAATGAGATTTTGAAGAAGACCCAACAAA  
GATCAAGAAGTATGGTATTTGGCTGCGATATCAGAGCCGAAGTGTATCACAACATGTACAAGGAGTACCGC  
GACACAACATTGAATGGTGCCGTCGAGCAAATGTATACCGAGATGGCTTCTCGCCATAGGGTGAGGTGCCCA  
TGCATCCAAATCATTAAGACAGCAACCGTTCCAGCAAACTCTGCAAGAGGGAAAGTACGAAACAGTTTCACA  
ACTCAAAGATCAAATTCCTGTTGGTGTATAAGAAGGTGAGGCCACCCACCAGGAAGCTCAAGACAACATACA  
AAGCATCTAAGCCCAACTTGTTTCATGTAATTCTGCTGATCTTGATTATTATTGGTTAGATTATTATTGATTAGAT  
TAATAGCAACTTCGAGAAGTAGAAGAAATTTATTTGAAACAATTCGTTTTCTAGCACAATTATTCCTCTGTTGT  
GGAGTTCATGAGATGAGTTTGTCAATTTTGATTGGATTAATATCTAAATCAAATTTTCTGCATCTCTGTTTTTG  
AAGCTTTTCTCCCTGAGTGTTGCAAGTTGTAGTCTTGAATTTCTGTGTTGGATTGGAACCTTTGTACCTTTAGAA  
TGGAAGGTTATTCTTAATTACCGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG  
GGCCCCCGCCCCCAAAAAATTTATAAAACCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCGGGCCCAATTCCCCCAA  
AAGGGGGGCGAAAAAACCCGCCCTCCGGGGCCCGTTTT

>trans\_c\_1348 NM\_001187847|Oryza sativa Japonica Group Os06g0353400 (Os06g0353400)  
mRNA, complete cds

ACAGGAAAAAACAACATAAAACATACAAGGGAAAATTTGCGTTTTGCCGATGAGATTTTTAGAAAATATAAAA  
ACTTAACAACTACTTGATCTCATGAAATAAAATCACTAAAAATGGATTTTATTACACTTGATTTTATCAAATA  
TCCTGTTTTTACAATCTCCATTCTTTCAAATTCGACAATTTTCTTAGAAAAATAAAATAAAAAGTTTATAAAC  
ACACAAAAGTTGAAACAAAATAAAAATTTTAAACTAAATAAAGTGCAAATTTAAGCCGTTGATAAATAAAA  
ATAAAATAATTTAGATAATAGCCCTCGGATTGCTGCTGCAGAATTCGACCACTCTAACGTCCGTCGTCTTCCC  
CGGCTCCGGTCGACCGTCGAGGTGTACACCGTACGTCATCCACTCACTTCCGTTCAATTCATTCGATGTTTCT  
GAGAGCTTCGCTGCTTAAGCTTTCATCATTCTACTCAATCCCATGTCATCCTCTGCTTCCCGTTTCTCTCTTCC  
TCAATTTGTTCTTCTCCCGCACACCTTCTCTATCCGATGCCATTAGCTCTCCCATATCCCATGAACCATCTT  
CTTCAGCTCCCTCTCAATTCCCCGATGTGGCAGATAATCGTTGGAGGCCACGTGTTTGTATTTACACATGGC

AGGTGCACAATGATGGATGATCCACTCCACATAAAGAAGTTCAATCATGATATCTCCAGGGAGCTTCAGGTAG  
ATGTTGCTAGGTCAAACCATATGCCAACTCAGGACGTTGATTATTTTCTGGTGCTTGATTTGGAGGGTAAAGT  
TGAAATTATTGAGTTTCCAGTCATATTAGTCAATGCCAAGACAATGGGTGTGACAGGTTTTTCCACAGTGTCT  
GGCATGACACAGCCATACTGTACAACGATGTTATTCAACAATTTGAAGATTGGCTGGTTCAGCATCACCTATG  
GAGGAAGGAACGGGGCGGTGTTCTTGATCGACCCGCATTTGTGACATGTGGCAACTGGCATATAAAAACTCA  
CGTCCCACATCAATGTAACGTCGCCGAAGATGCCCTTCCCGACTATTTTATGCACTGCCTCACCATCTCACATG  
CCCCTCTCCCTTCTCCGCCCCACC

>trans\_c\_1349 Z73942|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB7C

AATTCATAGTTTTCCCATTCACAGATCACTCCAGCTTGGCTTCGTCTTTTGATCAGAGGGAGAGAGACCAGAAA  
CCTCTCTTCTTCATCAATTCTCTCTCTCTCGATTTTCAACCGATTGAATTCACCTCTTCTCTTAACCATGCCTT  
CCCGCAGAAGGACCCTCTTGAAGGTCATCATCCTTGGGGATAGCGGGGTGGGGAAGACCTCTTGATGAATC  
AATATGTGAATAAGAAGTTTAGTAATCAATACAAGGCCACCATTGGAGCTGATTTCTTGACTAAGGAAGTACA  
ATTTGAAGATAGACTTTTCACTTTCAGATATGGGATACAGCAGGCCAGGAACGATTTCAAAGTCTTGGTGTT  
GCTTTTTATCGAGGTGCTGATTGCTGCGTTCTGGTGTATGATGTCAATTCAATGAAATCATTTGACAATCTTAA  
CAACTGGCGGGAAGAATTCCTTATCCAGGCAAGCCCTCCGATCCGGAAAATTTCTTTTGTCGTTTTAGGAA  
ATAAAGTTGATGTTGATGGCGGAAACAGTAGAGTTGTTTCAGAGAAAAAGGCTCGAGCTTGGTGTGCATCAA  
AAGGAAATATCCCGTACTTTGAACTTCTGCCAAAGAAGGCATTAACTAGAAAGAGGCATTCCAATGCATTGC  
AAAAATGCCCTCAAGAGTGGGGAAGAGGAAGAGATATACTTACCGGACACCATTGATGTTGGGAGCAACA  
ATCAGCCAAGATCATCTGGATGTGACTGCTGAGTTTATTACCTGAATTACCTCCTATTCTATTTCATTCTCCAG  
TAAAGCAAAAAGGTCTTTTATAAAGGTCGTACAGACTTGGGCTTTCTATGCGTTCCTATTGTACATTTTGGCTTT  
CCATTCGGAGTCCTGTCAATTATGAATTCAGTTGTGTTTGGTCTTGCAAGTTGTGTTTACTGTCTTAGGTATATTC  
ATTGTATCCGTCTGGTGTTTTGACTCTCTACCTGAGCCTCATTTGTTGATGACAATCAGTTTGTGCGATAAGTTT  
ATGTAATTCCTCTCTTTAGTTAACTTTTTTGATTTCTTGTTTATTTTATAGGATTTTGGTTCTTTTTCTTTTACAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1350 NM\_001049868|Oryza sativa Japonica Group Os01g0558200 (Os01g0558200)  
mRNA, complete cds

TGTAAGTGGTTCGGGAAGATTGCGATGCATGTTCTTGAAAAGCTTATTGCTTATGGTGCCCTTCCCATTACTG  
TCTCAGATTCAAAGGGATATTTAGTGGACGAAGATGGATTTGACTACATGAAGATATCCTTTTTGAGAGACAT  
CAAGGCTCAGCAGAGAAGTTTAAAGGACTATTCAAAGACTTATGCCCGATCTAAGTATTATGATGAAGCTAAA  
CCTTGGAATGAAAGGTGCGATGTTGCATTTCTTGTGCATACCATAATGAAATTGATCAAGCCGATGCGATAA  
ACCTGATTAGTTCTGGCTGTCGTATTCTAATAGAAGGTTCAAATATGCCCTGTACTCCTGAGGCTGTTGATGTG  
CTGAGAAAAGCTAATATTCTCATTGCTCCTGCAATGGCTGCAGGTGCTGGAGGGGTTGTCGCCGGAGAGCTT  
GAATTAACCATGCATGTAATTTGATGCATTGGTCTCCGGAGGACTTTGAATCTAAATTGCAGGAAGCTATGA  
AACAGACTTACCAGAGGGGCCCTCAAAGCAGCAGCTGATTTTGGCTACCAAAAAGAGAGTCTGAGGCTCTTG  
ACACGGACAGTCATTTCTGCTTTCTGAGTGTTGCTCAAGCAATGACTGATCAAGGTTGTGTATAATAGAGACAT  
TGAACACTATAGGAAAGTTTTCAAAGCTGCTTTCTTCTCCCGTGCCAATTACAAAGATGTCCTGCTGAAGCGA  
CCTGTTGGCGAGCCATGTATGGTATCACCATGGATTACGAAACCAGGTAAGTTAAATTGATGCCAGAAATCA  
AATTATACGACACCAGTATCTGAATCATAACACACCATGCCATACCTGGGATCTCAAAGGCTCAAATGTTG  
AAATCAAGATTGGAACCTGTAAATTATTATGTCAGCTTAGGGTAGGAAAAGGCCTCAAGATTTCTGAACCGGT  
AAGTGTGTTACATATGGCCAGTTATACTCCCTATATATGTGGTTGTTACTCCCTTGAATACATAGAGATGGG  
AAATAAAAAATTTGTTTATCTTTACAATTGAAAATGTTCAATGACACCTTCATCAAGCTATTCTTGAAGGCTGTT  
TCTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1351 NM\_126066|Arabidopsis thaliana DGL1; dolichyl-diphosphooligosaccharide-protein glycotransferase (DGL1) mRNA, complete cds

TCCAGGGGATTGGCCATACTTTAAATCCTGCAAATAGCTTGGTGCTCAAAGCTCTATCAGCATCTCCCGCAGCT  
TATTCTGCCAACCCAAAATCCAAGCTATCAAGTCCTCCACAACCTAACTGGATCAGCCATCTCCCTGGTTTCAGTC  
ATACAGGCAAGAAACAGTGCCCGGATTTTGATCTCTGGATCATTAAGTTTGTAGCAATCGATTCTCAAATC  
TGGGGTACAGAGGGCTGGGAGTCCGACCAAATTTGATAAGTCAGGCAACGAGCAGTTTTTCAGTTGAACTAAG  
CAAATGGGTTTTCCACGAGAGAGGTCATCTTAAGGCTGTGAATGTAAGGCACCACAAGGTTGGGGAATCTGA  
TGAACCGGCAATGTACAGGATTAATGATGAATTGGAATATTCAGTTGAGATTTACGAGTGGTCTGGTAAGACA  
TGGGAGCCATATGTAAGTATGATGTTTCAAGTGCAGTTTACATGATGAGCCCCTATGTTTTAAAACTTTATC  
GACAAACAACAAGGGTCTTTATCACGCAGCCTTCAAAGTTCCAGATGTATATGGAGTGTTCAGTTAAAGGTT  
GAGTATCAAAAACCTTGGCTACACTACCTTATCTCTATCAAAGCAGATTCCAGTGAGACCTTTAGGCACAATGA  
ATACGAAAGATTCATTCTACAGCTTATCCATACTATGGATCAGCATTTTCAATGATGGCTGGGTTCTTCATCTT  
TACTATTGTTACCTATACAACAAGTAACCAACTTTGCAGATGCATACGAAATCAGTGTAAGGATGCAGAGCTT  
AGTTTCTTTTGTATTGAAATAATATTTGAGCTCTACTCTTTTGCATACTTGAATTTCTAGCGTTGCTGCTAA  
AGTTATGGATACTTTAGTCTTAGTGATTAATGTAGAGAATGACAATTTTGTGAGAAGCAGCTCTGTTTTAAC  
TATAGATTATTCTATGTGCAATGTTGCACCTGGAGATTATAAGTTATTTTGTCTTTCTTTCTTTCTGATAGT  
TGTAATGAAAAATATCATTATAGGTTTATTTTTGGGTATGAACTGAGATGAGATTGAATTTCCAACCCCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1352 NM\_125378|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S15A (RPS15aF)  
(AT5G59850) mRNA, complete cds

CGTTGAAGAACCAGAAGCCCTAATTCCTTCGAAGTCTGCAACTTTCTGCTTCTGGCCTCCCTTCTCTCTCGGT  
AATAATGGTGCGTGTGAGTGTTCTGAATGATGCGCTTAAAGCATGTATAATGCTGAGAAACGAGGGAAGCG  
TCAGGTCATGATAAGACCGTCTTCTAAAGTTATCATCAAGTTTCTTCTCGTTATGCAGAAGCACGGATACATTG  
GGGAGTTTGAGTTCGTTGATGACCATAGATCAGGGAAAATTGTTGTTGAACTGAATGGGAGACTCAACAAAT  
GTGGTGTCTAAGTCCCCGTTTTGATGTCTGGTGTCAAGGAGATTGAAGGTTGGACTGCTAGGTTGCTACCCCTC  
TAGACAGTTTGGATTCAATTGTGTTGACTACGTCTGCGGGAATCATGGATCACGAAGAGGCCAGAAGAAAGAA  
TGTTGGTGGTAAAGTGCTTGGTTTCTTTACTAAGTAATGTTATGAGATTGGTTTTACTTCTTTTGGTATTTTC  
GCACTTTTGAAGTTAGATGGGAAGAAGTAGAGAGTCTGTTTTGTTTTAGTTGCTGTTTTGGTTGGTGGGAG  
GTTACAGGAGATTTGGCCTGCATTCTTTTGAAGACTTTCATGAGCCAATTTTCTAGTCTATGAGTTTTATTG  
TTTGCTATACTGAACTGGAATTGCCATAGTTATCAAGCTTTGGAATTCATTGCAATTTTTTCAGACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAACTTTATGAAACCCCC  
CCCCCGGGGGGGGGCCGGGCCCCCATTCCCCCTAAAGGGGTAAAATTAGGCGGGCCCCGGGGCCGCC  
TTTTTAAACCTCGGGCGGGGAAAACCCCGGGGTTTCCCCATTTAATCCCTTTGCAAAACACCCCTTTTCCCC  
CTGGGGGAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCCCTCCCCCTTTCCCAAATTTGCCACCCGAAAGGGAAAAGGGA  
ACCCCCCTGAAGCGCCCATTAACGCGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_1353 AF121194|Populus x canescens 14-3-3 protein (14-3-3P20-2) mRNA, complete cds

CTCTCCTCCCCTTACCTTTCCCTTTCACACTTTGATCCTAAAACCACCTTCTTCAGATCTATTCTCCATTTTCCTT  
CCAATGGCTGCCGCTCCCTCTGTTGCGGAGGAGAATGTTTACATGGCTAAGCTTGCCGAGCAGGCCGAGCGCT  
ACGAGGAGATGGTCGAGTTCATGGAGAAGGTTTCCGCTTCTCTGACAAGGAGGAACTACCGTTCGAGGAGA  
GAAACCTTCTTTCTGTCGTTACAAGACGTCATCGGCGCTCGTAGGGCCTCCTGGCGTATCATTTCTCCATC  
GAACAGAAGGAGGAGAGCCGAGGTAACGATGACCATGTCTCTGTGATCCGTGACTACAGATCCAAAATTGAG

ACCGAACTCTCCAATATTTGCGATGGAATCCTTAAGCTTCTTGATTCTAGACTCATTCCCTCCGCTGCTTCCGGA  
GATTCCAAGGTTTTTTACCTCAAATGAAGGGCGATTACCATAGATACCTTGCCGAGTTCAAAACCGGAGCCG  
AACGTAAGGAAGCTGCTGAAAGTACTCTCACTGCTTACAAAGCCGCTCAGGACATTGCCAATGCTGAGTTGCC  
TCCTACACATCCGATCCGACTTGATTGGCACTTAACCTCTCTGATTTTTATTATGAAATTTGAATCCCCTGAT  
CGTGCCTGCAGTCTTGCGAAACAGGCGTTTGATGAAGCTATCGCCGAGTTGGATACCTTGCGGAGGAATCCT  
ACAAAGATAGTACTTTGATCATGCAGCTTCTTCGCGATAATCTCACTCTCTGGACATCGGACATGCAGGATGAT  
GGGGCTGATGAGATTAAAGAAGCTCCACCGAAGCGTGAGGATGAAAAGCAGTGAGATTAGTGGCTCCCCAA  
GTAGGGGTAAAACCTTCTCTTTATATGTTTTGATAGGAAAAGATGCTTGCTTTGCTTGTTGCTTATTTGGT  
ACTATCCCTGAGTTCTTTCTAAAAGGCTCTCATGTCATTTGTTGCCGGATTGTGATGACCCGAGCTACAAACCTT  
GTTTACTCTTTTTTTCTTCTTCTTCTTTTTCTGATTAATTATTATATCTATAATCAGTCCTTTGTTTCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1354 NM\_001070256|Oryza sativa Japonica Group Os09g0525600 (Os09g0525600)  
mRNA, complete cds

AACATTATACTTCTCCGATCAACTTCCCCTCCTTCTAATTCCTCTTTAATCTCTGATTTCTATGGCGATGCCTTC  
TCGTGAAGCAATTGATACTTTCATCAGCGTCACTGGTGCCTCTGAAGCCATTGCCGTTCAAAGCCTTGAGGACAC  
ATGGTTCTGATCTCAATGCTGCTGTGAATGCTTATTTCATGAAGGAGATAGAAGTCGTCTGTAAACGCACGT  
CAAGCCTCTGTTTCTGGTGAATATGATTTTCATGGACATTGATGATCCAGTTGAAATTGAACCCAGGGTCCTCC  
TCGGTCTCTTCTATCTACAGCTAGAGAGATAATGAATCCCTTTTCATTACTTGATCAAAATCTGCGCCAGGGGT  
TCTTTGACCGCTCTTCTGATTTTACAAGGTCTGGTCCACTTGTGACTCATCCAAGAGAGTTGAGGGAGGTTCCC  
ATAGAATTTAGAGATGGTAGTCGACCATCTAACCAATCAGCCCATGAGCCGACAATTGAGGATGTCACTGGG  
ATTCCAGATGCCCATGGTCCAGAGGTTTCATGGGACTGTAGTAGTTGATGATGGGGAAGATGAAGAACCTCCC  
ATTACGTCTATAGCACATGCACCAGATTAGACCATCGGGCTGTTGCAAGTAACATATCTCGTGACAGAAATG  
CTATATCTGGTGCCTTTGAAAGTGATGAGTTTCAGGACACAAATGATATTGAAGAAGAAATGATTTCGTGCTGC  
AATTGANGCTTCAAAGAAAGATGTTGGGCAAGCTTACCCGAGTGATTCCATAACTACGCACACTGATTTAAAC  
AACATTAGAACTCAAGAACCTTTCTCACGTAGATAATTTGAATTTTCACCTGAAGCTTCATCTGTCAAGCCA  
GAGGAAGGTTTTCTCAGCGAGTGAGAAATATTGGAGGGTCGAAGGTAGAAGCTTCCAAGTCAACTGAGGT  
GGATGTGGAGCTGAGGAAAGTCAGAGGACTGAATGGAAGGATGGAAACAGGAAGCACGTCTGCTCAAGAC  
GAAGTTGAAGACCTAGAGGAAGATAATTTAGTTAGGCATCGGTCTAAACGCAAGTCCACTAGCTATGTAGAG  
CCTGCAAAGGGGGGTGAAGTAGATGTAAACCTTGCATC

>trans\_c\_1355 XM\_002874020|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata vesicle-associated membrane  
protein 714 (ATVAMP714), mRNA

CGAGGTACGGTGATTTTGGCGGAGTTCAGTGCCGTTACCGGAAATACTGGCGCCGTCGTGCGTCGGATCCTT  
GAGAAGCTTCCGAATGAAGCAGACTCTAGGCTCTGTTTCTCTCAAGAACGCTACATCTTTCACATTCTGAGATC  
CGATGGCTTAACCTTCCTCTGTATGGCTAACGACACATTCGGCAGGAGGATTCCTTTTTCTTATTTGGAAGATA  
TACATATGCGGTTTCATGAAAAATTATGGCCGAGTGGCTCTTTATGCTCCTGCATATGCAATGAATGATGAATTT  
TCAAGAGTCTTACATCAACAAATGGAATTTTTTTCCAGCAATCCCAGTGCTGATACCCTCAGCCGTGTTAGAGG  
TGAAGTAAATGAGGTACGGACAATTATGGTGGACAATATTGAAAAAATATTGGAGAGAGGTGATCGTATTGA  
ACTGCTTGTTGATAAACTGCAACAATGCAAGACGGTGCATTCCATTTCAAGAAACAGTCCAAGCGACTTCGT  
CGAGCTCTTTGGATGAAAAATGCCAACTTTAGCCCTGATGACATGCTTGATCGTGTTATTGCTATATGCAAT  
AGTTGCTGCTTTTTGCGGGGGAATTACTCTATCTTCTGCAGATCTTAACCTACAAACGGGTATGCTTTGATAA  
ATAGATTTGAACCTCATTTGCGGGACTTTCAAATTTGGAGAATGGATTTCAGCGGCTTTGCACTATAGAAATCAT  
AAACATATATATAATACCAATGTTCAAAAGCTGTAAACGTTCTAGATTTGCCCTTTGTAAATCTTCTCCTGTG

GTTGCAGTATGTTTGTGCTGCTGCTATTGCTCCTGGAAAGCTTGTGAGTTTATTATACTTCTGCTTTTGA  
TTTTTTTTCTTCTTCTTTTTTTAAAAATATGTTTTGTAGATTGCTTGATGTTTACTAGTAATGTTATGTTA  
TTATTTGATTTGAAGATTTTGGTATTTCAAATGACATGTTTCACTTTTCTAGTCGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAACCACAGAAAAAGAATTCATAAAGAAAATGAAAAATAAAAAATGATTAAAT  
TTTCTTGTCTTCATGTGAATTTGTTG

>trans\_c\_1356 GU292049|Gossypium hirsutum dehydration-induced 19-like protein (Di19-1)  
mRNA, complete cds

TGTTGCTAAGGATCACGAGCCCAATCTCTCATTGACCTTATAAAATTTCTCAATCCCCACTTAATTTTCTTAAT  
TTCTCCAAAAAACCACCAATACTGTGCCGTTAAGAGCTCTGGTGAAGTTGTGTTGAAGAATTCATCCAAGT  
TTCGAACGAATTCACCCCCCTGAATCGAATTCGTGTTGGGGTTTTTGTGTTGTTTAACTCGATTATGGAT  
AGTGAAGCTTATACTTATGGTCTCTGATGCTGCTGCTGCAAGAAGCTCTAAATCCCAGTCGCATTTTATTTT  
GACTACGAGGAGGTGGATGGGGATGATGATTTGAATTCGGAATATCCTTGTCCGTTTTGTCCGGAGGAATTT  
GATTTGGTTGAGCTTTGCTGCCATATTGATGACGAGCATCCCGTAGAAGCCAACCTTTGGGATATGCCCTATTTG  
TTCTACAAGCGTGGGAGAGAATATGGTTGTACATATAACGATGCAGCATGGAGATGTATTTAATAGTCAACAA  
AGATTGAAATTCACAAAGACAATTTTCTCAAAGTCTTTCTTTGAGAGAAAAGAGTTACAAGATGACCATGT  
AAGGATCTTTTCGGGGTTTTCTTCTCTGCACTCAACCTCCAAGATGGCACCCGATCCATTGTTGTCGTTTTATG  
CAATGCACCTGTCATCAATGAGTCTAAACTGTTCAAGCCGAGCCTTCAAGTAAAGAAAAAATGGAGGAAAAA  
GTTGTAGATGATACATTGTCTGAAAGGGATGTTCAAGTATCTTCATACCTGACACGAAACCAAGAAGAGAAA  
ACTCGGAGATGAGACTTCGTACGGGATTTAGTTTTCTCTGTCATATTAGGGGATGATTTATAATAGAGGGCAC  
AGAGGCAGAAGAGGAAAGTTATTTCAAATTTTAGGAAATGCTATTATGATTAGTGTTTTTATTTCAATGTTTA  
TATTACTCTTGTAAAGACATGTAGGAATCGAAGGTGTATCAACGTGGGTTAGTAAATATTGGCTAGAAGGTGT  
AAGCATTGTCCAAGTATTTTCTGGTTATGGAAATTTCTCAATCAGAGATTAGTAACTGGTAGTCAAATAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1357 AJ871580|Glycine max mRNA for beta-amylase (bmy1 gene)

ATCTAATCAACCAAGAATTCCTCTCCCCGAATGGGTCTCAAAGATCGGTGAATCTGACCCTAACATCTACTTCA  
CTGATCGTTACAGGCAGCCATATAAAGATTGCATATCACTCTCTGTTGATAACCTTCCTGTCCTAAATGAGAAA  
ACTCCAATCCAAGTTTACCATGAATTTTGTGAGAGCTTCAAATCTTCATTCTCAAATCTCTTGGGCTCTACAATC  
TCGGGTATTTGATTAGTCTTGGACCAGATGGTGAGCTTCGATATCCTTCCCAGCGACAACCTGAAGTCACATG  
GAACTGGAGAATTTCACTGCTATGATAAAACATGCTTAGCCTTCTTAAGCAATATGCTGAAGCAAGAGGGAA  
TCCCTTATATGGACTTGGAGGTCCCATGATGCTTCAAGCTATGACGAAATGCCCTACTCAAACAATTTCTTCA  
AAGATAACGGTGGTTCATGGGAGTCTCATTATGGGGATTTCTCCTTTCTTGGTATTCTAGTGAGCTAATTGCT  
CATGGTGATCGCCTTCTCTCTTGCCTCATCCGTCTTTGGCAACACCGAAGCAACCATTCTGGAAGGTTCC  
ATTGATGCATTCTTGGTACAAAACCTAGATCACACCCAAGTGAATTAACAGCCGGTTTCTACAATACTGCCAACA  
GGGACGGGTACGATGCTGTAGCGGAAATGTTTGCCAGGAACTCAAGCAAATGATCTTGCCCGGGATGGACC  
TATCAGATCAACATCATCCTCAATTATTGCTATCAAGCCCCGAGTCATTAATAGCACAATCAAGTCAGCTAGC  
AAAAAGCACGGCGTAATGTTGTCAGGACAAAACCTCATCCAATACGGGACCTCACGGGGGCTTTGATCTGATA  
AAGAAGAATTTAGATGGCGAGAATGTGGAGTTGTTACATACCAGAGAATGGGAGCTTACTTCTTCTCCGC  
AGCACTTCCCTTCTTTGCTGAATTCGTTTCAAGCGTCCATCAGCCTGAACCGCATTCTTATCTTCCCGTCGAA  
GACGAGGAAGAAAGAACATTGCTGAGACGCCGTGTCCAGTCCCATGTCCGAGGCACAGATGCAAGCGGC  
ATAAGAGAGGCCAGAGTAAAAGAGTAATGTAA

>trans\_c\_1358 AF139466|Vigna radiata chlorophyll a/b binding protein CP29 (CipCp29) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CTTCTCAACCACATAATAACCCAACCAAAATCCCCAATTTCCCATCTCACATTCTTCAATCCCTCCCTCAAACCTT  
CTCGTAATGGCCACCGCCGCCGCAACCTCCTCCTTCATCGGAACACGCCTCGCCGATATAGCGCCGAGTTCTG  
GCAGAGTCCAAGCCCGGTTTCGGATTTGGAAAAGAAAAGAGTCCGCCGAAGAAATCGCCGTCGTCTAAGGGA  
ATTTCCGACCGGCCGCTGCGGTTTCCAGGAGCCAAGGCGCCGGAATGGCTGGACGGAAGCTTGGTAGGGGA  
CTATGGATTTGATCCGTTTGGGTTGGGGAAACCGGCTGAGTATTTGCAGTATGATTTGGACTCGTTGGATCAA  
ATAAACGCGAAGAATGTGGCTGGAGATATAATTGGGACGAGATTTGAGAGCGCGGAAGTGAAATCGACGCC  
GTTTCAGCCATACACGGAGGTATTTGGATTGCAGAGATTCCGTGAATGTGAGCTTATTCATGGACGGTGGGCA  
ATGCTGGCTACACTCGGTGCTCTCTGTTGAATGGCTACCGGGGTTACTTGGCAAGACGCCGGAAGTAG  
AATTAGTGGAAGGTTTCATCCTACCTAGGCCAACCATTCCCTTCTCCCTCACTACCTAATCTGGATCGAAGTTC  
TAGTGATCGGTTACATTGAGTTCCAAAGAAATGCGGAGCTGGACCCAGAGAAAAGGTTGTACCCAGGAGGCA  
AGTTTTTCGACCCTTTGGGTTTGGCTGAGGACCCAGAAAAGAAAGCAGTGCTACAATTGGCTGAGATCAAGCA  
TGCACGCCTAGCCATGGTTGCGTTCTTGGGTTTTCGCGTTCAAGCTGCTGTACCGGCAAAGGTCCACTCAAC  
AACTGGGCTACCCATCTCAGTGACCCTCTCCACACTACTATTATTGACAACTTCTCTTCTTAAGCTCCCTTAATT  
GTCTCCACTACTCTCTTCATTATTGTCTCTTTCTAGTTTGTATAAACTTGACTGAGTTATGTGATCCTGAGCTG  
TAAGTAGTACTTTGCTTCGCGATTGCTATGTTAAATTATATTATATATCGTGTTACGACACAAATCAAAAAGTGT  
TATTATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1359 NM\_116659|Arabidopsis thaliana PUX4; protein binding (PUX4) mRNA, complete  
cds

ACAATCCGCCAAATTACGCGACCTTCCTCAACATTCTCTCCCTTCCCTTTACCTCCTCTCTTCCATCAGCATCTTC  
AATGGCCTCACGAGACGACAAGCCCTCCAAGCCCTCCAGCAGTCGGACCGGCGGTATTGAACCTTTCCGAT  
CTGAATCGACGCTCGCCTGATTCTGTGCGGACCCCGATGGTCCTCAAGAGTATTATACGGGTGGTGAGAAGA  
GTGGGATGCTTGTCCAAGATCCTACAAAGGGTAATGATGTGGACTCGCTTTTTAATCAAGCTAGGCAAATGGG  
AGCTGTAGAAGGCCCTATTGATCATGCCGTTTCATCAGGCTCCAGCAGTTTTACCGGAACTGGTAGGTTACTCT  
CAGGAGAACTGTACGTTCTGCACCTGATCAGCCCGAGAGCATTGTTACAATATTGTATTCTGGAGCAATGG  
CTTTACTGTAAACGATGGCCCTTTGAGGAGGTTGGATGATCCTGAAAATTCATCTTTTTGGAGAGCATTAGAA  
AGTCTGAGTGCCCCAGAGAGCTTGAACCTGCAGACAGAAGGTCTCCGTTTCATGTTAATTTAATTAGGAGAAT  
GGAGGAGTATCGTGAGCCAGAGAAACCACGTCTTCCATTTCAAGGTGTAGGAAGAACTCTTGGTGGTACAGC  
TCCATCTCAAGCAGCAAACGGGCCAACTGCTACTCCCACTGATGTCAATAGCAGTCCAAGCCCTTCTGCAGGC  
CTCATCGTGGATGAATCGTTGCCGTCAACCTCAATTCAGCTTAGGTTGGCAGATGGAACACGCATGGTATCTC  
ATTTCAATTACCAACACACAATCAGTGATATTCGTGCTTTTCATTGACGCATCTAGACCAGGGGGTGCCAGGAA  
CTATCAGCTGCAGTTGATGGGTTTCCCTCCCAAGCTTCTTAGTGACGTGACCCAGACAATCGAGCAGGCAGGT  
CTTGCCAATTCTGTTGTTATCCAGAAGTTTTAGCAACTTAGATAAACTTTCTTTTAGACCGTAACCTAANAGAGG  
AAAAAAAAAAACATTCAAACATGAAATGGTTTCTCAGATTGGAAAAGTTTGTGATGAATATTGAAGTATAG  
TCCAGGTGTTTGAAAATCGTGGGGTGTCTATT

>trans\_c\_1360 NM\_112819|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT3G19320)  
mRNA, complete cds

ACCCTTCACACACCTCTCTCTCAATCTCTGCCGTCGCAAAAAAATGTGGCCAAAAGTCTTCACCGTCTTCTTGG  
TTTTACATTCAATCTTCTCCTACATGGTGTGCGCCAAACCGGACCTCCCCGCCAAACCCAACCATCACGCGAA  
TCCGACCAAGGCCACCCTTGATCCCACCGGTACAAAGCTAAAGCCTCGACAACCAATTAATAACCCGGGACC  
TCTAGCCAATAGAGCCAGAATCCTATACATAACTCAAGAGCTAAAACGAAACATTACTTATGACCCAAAAGGG  
TACACCAAAACCTGGGTTGGCAACAATTATTGCCTCTTCAAAGGGTCTTTTTCGACGTGGTTCCTGACCTTAA  
CATCACTGGCTTATCCTCTATTGACTCCAGTGGCGCAAGATTGGTGGCCCTTCTTGAACCTCTATCGTTTCAT

TCGTAATTTGCCTGACATTGCTCTTTTCATGCGAATTCCAACAACCTTTACTGGCGTTATCAACCGTAACATTAA  
CAAATTACGGTACTTGTATGAGTTGGATTGAGCAACAACAAGTTCCTTGGTGGGTTTCCTGGGTATATCCTTG  
GTGCTAATAAATTGTCGTTTGTGGACTTCCGTTTCAATACTTATAATGGGTCCGTTCCGTATCGGCTGTTTAAC  
ATTGATACGGATGTGTTGTTTACCTAATAATAATGGGTTCACTGGAAGGATCCCGCAAGCCACCTTCGGTAACA  
CACCCGCGCTCTACATCACACTTGCCGGCAACAATTTACAGGACCAATCCCACCAACAATCGGGCGAGCTTG  
GAGGACTCTTACGGAGGTCTTGTTCTTAAAAATAAACTCACGAGTTGTTTACCATTGAGATAGGCTATTTGG  
TAAAAGCCACGGTGTTCGACGCCAACACCAACATCTTAACAGGTCCAATCCCACAGTCATTGGTGTGTTATTT  
AGCTCCAAATTCTAACTTAGCCGACAACCAATTCTACGGAACCATTCGGAATCCATCTGCAGGCTTCCAGA  
CATTTACAACATTACTCTAAGCAACAATTACTTCACACGAATCGCCCTCAGTTTGCCGTAAATTAGTCACAGCCC  
AAAGGCTCCTCTTCCAAGGCAAC

>trans\_c\_1361 NM\_203219|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein  
(AT5G57150) mRNA, complete cds

AGCAAATTAGCCACTCCATTTCTCTCCATCGCCGCCGCGTTCTCCGACCGTCCGCCCTATTTCCCGCCGATGGA  
GAACATTCTGGATGAGTATCGCTATTACTGGGAAACCAATATGTTTCTCAGACGGAAGAATTCGACAGAAAT  
TTCAGTTGGGGATTAGATGAAGCATTTTATGGTTCTTATGATTGAGCTCACCGGACGGAACGATGTCATCATT  
GGAGGCGTCGAAGAATATCTTATCGGAGGAATCGAGGGAAGAAGCTTAATGATAGGCTTCTTGCTCTCAGAG  
CCGTCGTCCTAATATCACCAAAATGGACGAGGCATCGATAATAAAGGATGCAATTGAGTACATTCAAGAGCT  
TCGATCAGAAGAGAATCGAATCGAAACCGAGATTTCAAATCTAGAATCAGGCAAATTCAAGAGCACAACATC  
AAATGAGGACGATGATCGTGAAAACAACAATCGAAATACAAGGAAGAGGGGAACAAAGAATTCTAATCGAC  
AACTACGGGAGAAGCCAACGTCTTTCCCGATCGAAATTCTCGACTGAACTGAGTTACATGGGAGAGAAGA  
CGATGGTGGTGAGTATGACGTGTGAAAGAAGAAACGACGCCGTATTGAAAATTTGTCAAGTGATTGAATCTT  
TGAAGCTGAAGATAATTACGGCCAATATTACCGTCGTTGCCAATAGGCTTCTCAGTACGCTCTTCCTTGAGGTT  
CAATTCCTTTCTTTTAAAACTTAGCCTTTTCTTTCCATTCAATAATCAATCATCAAAGGCTTCACTATATTAT  
TTTTCGTGATTAAGTGACACCATAGTAAGAAGAGTTGTCTATATTATGATCTCGATTCTTCATTTGTCATGATA  
CAATTATTTAAGATGAAAAAATCTTAGATGCTGTTTCGATTGTCGATAAGAGTGTTTAAATGACTTGATAATCC  
GAACAATTCAGACTGTCTATCTAAATTGTAAGAGTTGAGTTTGGTAATTTTTGTCTAATCTTTTCTATCTTTTGT  
CAAGTGGGATAGAGTTTGAGTAGGACAATTTTTTTTTTTTGGGTAAACCAACCTAATCCATATTAATAATAC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1362 AF531363|Gossypium barbadense fiber protein Fb2 mRNA, complete cds

CTCTTTCACATTTTGGTTTGTGAATTTACCTTTGAGAGAGAAAAAACCAAAATCGATTTTTTCAGTTCGCAGT  
TCATCTCATCTCTCACTCTCATTTCTCAAAATCATCACTTTCCTTTCTTTCCCTAATTTTATCTCTTTTTAGGGTT  
TTCATTTTGGTTTCCCAATTTGCTGTTGCTCTGTTTTGGATCATAAGCTTCTTCAAACCTGCTTCAAAGTTTCTGC  
AGATTGAAGCTTCAACTTGGAACCAATTTTTTTTTTTTTCTGCTAGGGAAGAGCTATGGATGCTGATTC  
GTGGACTGCTCGTCTTTCTTCTGCTTCTAAGCGTTACCAATCTGCTCTTCTATCACGATCTGGTTTAGGTATGTT  
CATGGGGTTTGAAGAACTTGAAGGGGATGACGATATAAGGGAGGAATCCCATGCCATTTTGCTCAGAATA  
TCTTGATATAGTCGGATTATGCTGTCACATTGATGAAGAGCATCCTATTGAGGCTAGGAATGGGGTATGTCCA  
GTCTGTGAAATGAGGGTGGGAGTTGACATGGTTGCGCATATATCCCTGCAGCATGGAAATATTTCAAGGTGC  
AGCGTAAGAGAAAATCTCGTAAAGGTGGTTCACACTCAACACTCTTTTATTGAGGAAAGAGCTTCAAGATGG  
AAATTTGCAGTCTCTTTTGGGGTTCTTCGTGTTTATTTACTTCTCCAATGCTGCGCTGACCCATTACTTCA  
TCATTTATTCTACCGTTAGCTGATGACTATGGCAGTGTTCAACCACACTTGTTGGCTGAATCAAGCTCCGTGAA  
GAGTAATTCTCAAGACAAAGCAGTAGAACGGTAAGTTAATGATATATTACCACTATAACAATGCCGTTACTCTC  
ACAAGTCCGTGCACAAGATAGCATCTTTTTGATGGGAAGTTCAATCGTGTTCAATGTGAAAAGTTCGTGCAA

GGAGTTCTTTTCTACTCTTTTGTTAATAAAATATTTACTGACATGAGATTAGTTTAAACATAGGCTGACATACGT  
TTTCCTTTAATCCCAATCCCTAGCATAGTGAATAAAGAGAACCCCTAGCATAGTGAATAAATGTTCTCTTGTCAG  
TCTAGTTGATATTATTGAT

>trans\_c\_1363 NM\_130025|Arabidopsis thaliana RAB6A; GTP binding / protein binding (RAB6A)  
mRNA, complete cds

AAAGCAAATCAACACAAAGAACAAACCAAAATCCAGAGTTTCTTCCATTTGCAACTCATTTTCAATTCATTCACCA  
ACCTTCTTCTCCATCCCTTAATTCTTCTCTCTCGGAATTTTCAATCACAGATCTCCCCGGAAATGGCTCCACCT  
CAGCTCTGGCGAAGTATAAGCTCGTCTTCTCGGTGACCACTGCTGTTGGCAAAACCAGCATCATTACACGCTTC  
ATGTACGACAAATTCGATAATACATATCAGGCTACCATTGGTATTGATTTTCTCTCAAAAACCATGTATCTGGA  
AGATCGTACCGTTCGACTGCAGTTGTGGGACACTGCTGGACAGGAAAGATTGAGAAGTTAATACCAAGCTAT  
ATCAGGGACTCATCTGTCGCTGTCATCGTTTATGATGTTGCAAGCCGGCAAACCTTCTAAACACTTCAAAGTG  
GATTGAGGAGGTGCGCACTGAGAGAGGCAGTGATGTCATTATAGTGCTTGTGTTGGGAACAAAACGACCTTGT  
GGAGAAGAGGCAAGTCTCCATAGAGGAAGGAGAAGCCAAAGCCCGTGAATAATGTCATGTTTATCGAAAC  
AAGTGCTAAAGCTGGATTCAATATCAAGGCACCTTTCCGAAAAATTGCTGCAGCATTGCCGGGAATGGAACT  
CTGTCGTCAACAAAAACAAGAAGACATGGTCGATGTTAACTTGAAGTCCACAGGAAGTGGTGCCGCACAATCC  
CAGCCGCAGTCGAGCGGATGCGCGTGCTAATGAAGGACAATACGAGGGGTATTGAAGGAATCCAGTGTTTC  
TTGGTTTTTGCTTTGAACACCTCAACCTTCTTGAAGTGTGAGCCATTGAGGTAACAAAGATGAGGTTTTATATC  
TATGAATGCCTTCTTGAGCAGAACTAAATTCGTAAAAATGGAATCGGTGGCAAAGAGTAGACTGAGTTGTTAT  
TTTATTGAGTAATTTGATGTATTGGTTGGTGGAGTCATTGTTTGGGTTTTGGGATTGAGGAGATTGTAAAAAAT  
AGAAAAAAAATTATGTGTTGGACTCGATTACAGAAATTTGCTTTTATCTGTAAAGTTGAATTCATCTCTAGAAC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1364 X79267|B. verrucosa Betv III mRNA for pollen allergen

TCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAACGAAATCAAGTCCCCTCTCGGCCTCATCCCCAAATCCTG  
TTGTTTGTTCGTTTATCCGAAATCTTGAAATGGAAGCGGTGGCCTCTCATGTTCCCCGACCCCGGCTGACGA  
AGAAACCCCTTCTTCTGTCCTCGTCGTTGAGGCTTCGGTGCCCGAGCCTGAACTCCCTTCGCTGCGTCGCATAT  
TTGACATGTTGACAAGAACGGGGACGGGATGATAACGGCGGAGGAGCTGGGTCAAGCTCTGGGGCTTCTT  
GGGTGGATGCTGATGAATCGGAGCTGGATTGACGGTCAACTCCTTCATAAAACCGGGAGATGTGGGTCTT  
AGGTTGGAAGACTTCGCAGCCCTGCACCAAGTCGCTAAATGACGCCACCGAACTCCAAGTGGTTCTAAGAAAGC  
TGAGATTGGCGGAGGGGAATGAGATCGACAGGGTTCAGAAGATGATTTTGTGCGTTGACCGCAATCAGGAT  
GGCCGGGTGATTTCTTGAATTCAAGGACATGATGCGCAGTGTTATCGTCCGGAGTTGTTGATTGCTCGAC  
GCCCCATGTTCTGTTCTGTTTCCACTCTCCAGTCCAAACACCTCTCTCGGTCTCTCGTCGATCATCGTCTCAG  
CCCCTTCCAAATTTCTATTTTCTTCTCCTTTGCTTTGCCTTTCTATGCAACTCGTCAACCACACCCAATATT  
CTTCTCCCCTCAACCATCTATTGTATTATAATAATCAATCATTAAATTAGTTTATGCTCAAAAGAATCCACATT  
ATTATTATTTCAATTAATTCATGTTACCCCTCCTCCCTCCACCCTCCACCCTGGGTCTGGCTTCTCTATGACTT  
ATCCCCAATGCCTTTGCCTCTCTGTTATTTCAAATATTGCGGACTCTTATTTCCGCTTCAATCAATAAATATATAC  
ATCTTGTTCTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1365 AY104504|Zea mays PCO127462 mRNA sequence

ACACTTCAAATAACCCCTCAATTGGATTCTTGAAAACTGTTACAGAGATCACAAAGGATAAGAAGGTATTGA  
AGAAGACCCAGAAGGAGGGAGAAGGATATGAACAGCCAAATGAGGGAGCAGTGGTGCAAGTGAACTTAC



TGGTAAACTGGCTGATGGGACGATTTTTACTAAGAAGGGTGATGATGAGAAACCGTTTGAGTTTAAAATTGAT  
GAAGAACAAGTCGTTGAAGGACTTGATTTGGCTGTGAGAAAGATGAAGAAGGGAGAAATTGCATCGGTGAC  
GATCCATCCACAATATGCTTTTGGATCTTCGGATTCATCACAAGATCTAGCTGTGGTTCCTGCAAATTCAATTGT  
ACATTACGAAGTTGAGCTGGTTTCATTCGTCAAAGAAAAAGAATCTTGGGACTTGAACAAAGCAGAAGAGAA  
AATAGAAGCAGCAGGTAAAAAGAAGGAAGAGGGGAAACGTTCTATTCAAAGCTGGAAAATATGAGAGAGCAT  
CAAGAAGATATGAAAAGGCTGTTGCTACATTGAATATGATACTTCCTTTAGTGATGAGGAGAAGCAACAGA  
GCAAGGCACTAAAGATTTTCATGCAACCTCAACAATGCTGCTTGCAAATTGAAAGTCAAAGACTACAAACAAGC  
AGAGAAGCTTTGTACAAAGGTGTTGGAACCTGACAGTAGGAACGTGAAAGCTTTATATAGAAGGGCTCAAGC  
ATATATTCAACTTGTTGATCTTGATCTTGCTGAGCAAGATATCAAGAAAGCCCTTGAGATTGACCCAGATAACA  
GGGATGTGAAGATTGAATACAGGCAACTGAAAGAGAAAAGTGAAGGAATACAACAAGAGAGATGCACAGTTT  
TATGGTAACATTTTTGCAAAAATGAACAAGTTGGAACATGCTAAGTCTGCTAATTCAGGTGGAAAGCAAGAG  
GGAGTACCAATGACCATTGATAGCAAAGCTTAATGGCCAATAGATTTTGATACTTTAGCTGTCATAGCATCAA  
ACTATGCATTAACGAAATGTAATGTTGTCGTCATGTTTTGGAGAATGTATATCGTTGCATACTCTTTGTATAAA  
ATAAGTCGGGTGTTTGGAAAAA

>trans\_c\_1366 AY105430|Zea mays PCO119892 mRNA sequence

AAGATCAGGTCTGAAGAAAGTTATGGTTGCGCCTAGCCCTTCTCTAGGAAGCTCTGTTTTGTTAGATTTTCCT  
TTTTAAGCTTTTTTTTTTTTTGATTTTTTTTTCTTTCTTTTTGAAAGTGTTGATCTTTCTGTAATTTGGGGTT  
TAGATTTTGTATCATCAGAGCCATTTAGAGGGTTAGGAGGTGTTAAAGTGTTAGCTTTGTTGTTAGCCTCT  
ATCACCTGTGTTATATACCGCCATTTCTCCCTCCAATTTCTTCCATCACAATTTCAACACAGCTTACCTTTTCAT  
TTTAACTGATCGCCGTCTTTCTTTACAGTTGGGTGTTGATTCTCTGGATTTCCGGCTTTAGGGTTTTCA  
TTTCCTTATTTCTTCTTCAATTACACCTTTAAACCAATCATCAATAAAACACAACAAATCTATAGTTTATTCT  
AGGTTTTAGGTTTTATACAACTCTAGTTTAGTTTATTTTTTTGTCTGACATGGATAAGAAGAGAGTGGCTATT  
CCTCTCGTTTGCCATGGCCATTCTCGACCGGTTGTGGATCTATTTATAGCCCTGTTACGCCCGATGGATTCTC  
CTCATCAGTGCCAGCAAGGATTCCAATCCCATGCTTAGAAATGGTGAAACTGGCGATTGGATTGGTACATTTG  
AAGGTCACAAAGGCGCAGTTTGGAGTTGTTGTCTGGATACCAATGCTTTACGTGCTGCTACTGGTTCTGCTGA  
TTTTTCAGCGAAAGTATGGGATGCATTAAGTGGAGATGTACTGCACTCATTTGAGCACAAGCATATTGTTCTGT  
CCTGTTCTTTCTCGGAGGATACACACCTTTATTGACTGGTGGTCTAGAGAAAGTACTACGAATATATGATTTG  
AATCGTCCCGATGCACCTCCAAGAGAAGTGGATAAATCCCCGGTTCAGTTAGAACTGTTACATGGCTTCATA  
GTGATCAGACCATACTAAGTTCTTCACTGACATGGGAGGGGTCAGGTTATGGGATGTGAGAAGTGGCCAA  
TAGTTCAAACACTTGAAACCAAGTCATCAGTGACCAGTGAGAAGTTAGTCAGGATGGACGATATATCACAAC  
TGCTGATGGGTCGACT

>trans\_c\_1367 NM\_001058449|Oryza sativa Japonica Group Os03g0851300 (Os03g0851300)  
mRNA, complete cds

ATCCCATCATTAATGGAGTTGAAGCGTATTTACTATGAATTGATGATCAGGTATTATTCCCACCAGAAGGATTA  
CCTTGAAATTTGTCGCTGCTACAAATCAATATATGACATTCCGTCTGTCAAGGAAAACCTCGGCTCACTGGATAC  
CAGTCCTGAGGAAAATATGTTGGTACCTAGTTCTGTCACCACACGATCCCATCGCAGTCGAGCCTTCTTAATTC  
TATCTTGGAAGATAAAAACCTTTCAGAGATTCCAAATTCAGATTGTTGTTGAAACAGCTAGTTACTATGGAGG  
TCATCCAATGGACGGCTTTATGGAATGATTACAAGGATGAGTTTGAGAATGAGAAGAATTTGTTAGGTGGCTC  
TTTGTTGAGAAGGCTGCAGAAGATCTTAAACAAAGGATAATCGAGCATAATATTCTCGTTGTGTCGAAATAC  
TACTCAAGGATTACATTGAAGAGACTTGCAGAGCTTCTGTGTCTCAACCTCCAGGAAGCAGAGAAGCATCTGT  
CTGAAATGGTCGTTTCCAAAGCTTTAGTGGCGAAGATCGACAGGCCGATGGGGATTGTCAGCTTCCAGACATC  
GAAGGACAGCAATGACATTCTCAATTCATGGGCAATGAACTTGGAGAACTGCTGGATCTTGTTGAAAAGAG

CTGTCACCAAATACACAAGGAGACCATGGTTCATAAAGCTGCTCTAAAAGTTTGAGAAGGAGCCACGGTTCAT  
TGTTTCGACCAGAATTTGGCATCATCGGCTGTTCTGCCAAACAGATCCATGAAGAATTTGTCCAGATTTTACGAT  
GTGGATTGTTTTGATGGTAAGGAGCAAAACTTGTTATTAGAATTGGAAGTAAAGATTGTTGTATAATACCGAC  
TAGAAATCGGAACCGACCTTTTCTTATTCTTGATCGTCGGGCATTAAATCGCCTTGGGTAGTCTCAGTTCCTA  
GGGGATTTGTTTGCTACGTTCACTCAGCTACCATTTTATCCAGTTTAGGCGTGTATGCCTATTTCAACTTTGGTT  
GTGTGCTTGGGATAATTTTTGTGTTTGACGTTTCTTTTTTCCAATTTGTTAATGATTTTTTTTTTAGCTTTGGAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1368 AY143840|Arabidopsis thaliana At4g27320/M4I22\_130 mRNA, complete cds

AAATTTCCAAATTGATTCTGATTTCTCCATGGATCCTCAGAGCTATCTTCGAAATCCCACCTTAGAACCTGACCC  
CCAATTCCCAACATCAAAATTCACCATCCAGCTTCCCCTCGCCACCCTTCCGCCGCCACTCCCGTCGCCACCCC  
CACCCCTACTGCCGGCGCCCGCCGAAGATTGGTGTGCTGTTGACCTTCCGAGGAGAGTGCTTATGCTGTT  
CATTGGGCTGTTCAACACTATATTCGCCCTGGTGATGCTGTCTCCTCCATGTTAGCCCTACTTCCGTCCTTT  
TCGGCGCCGATTGGGGTTCTATTGACATTACTCTCGATACCGTCGGTAATAACCCGGATGATGATGATGCTTT  
GAATTCTGACAATGGTCAACAGCAGAACCACACCGAGCGCTCTAAACGTAAATTGGAGGATGATTTGATGCC  
TTCCTGCTCTAAAGCTGCCGATCTAGCCAAGCCCTGAAAGATGCTCAAATTCCTACAAGATTCACATTGT  
GAAAGATCATGATATGAGAGAGAGGCTTTGTCTGGAAGTGGAGAGGTTGGGGCTGAATGCCCTGATCATGG  
GTAGTCGGGGTTTCGGTGCAGCAAAGCGTGGAATGACGGTGGACTCGGGAGCGTTAGCGATTATTGTGTG  
CATCATTGTGTGTGCTGTAGTGGTGGTGCCTTTCCGGATGAGAAGGACGTTGGGGTCGGTGCTAGTTCTC  
TGGCTGCGCGGAAGCCGGACGTTGACGCCCCGAAAAGTCAGTAGCCGAGCCAGTGGAGTCTAAAGGTGTTT  
AGATGGTAACTGTCCAAATCAGAGACTGATTTCCCATGTGCAATTTGTGTTGAAAAGCTTGCCTGTCATCCTG  
ATTAGCCGAGGTGCAAATGGATTGTCGGTTTTGAGTCTGAATTACAGAGCCCCTGTTTTGAAGATGAAGAA  
ACCATGAATAAGAAAATAATTGCCGAATGATTTGAAGTTGATGCTGGCCTTTCAAATTGTTTAATTGCTTTGA  
TATCAATAATATTTGTTGCTTTCTGCCACGGTTTTTTAATCTGGTTTCTAATTATCGAATCCCTCGAACAACT  
TGTTATGTTGCTTGAATTTCTGATTAATG

>trans\_c\_1369 NM\_106622|Arabidopsis thaliana ELF7 (EARLY FLOWERING 7) (ELF7) mRNA,  
complete cds

ACTTCAACTACTTACCATTGTTGTGTGCTATGTATGTGTTGAAGGATTTCCATGGTCATTGGTGAATATTAGG  
CTTAAATAATAAGCACCTGCATAGCCTAGCCCTAGCTAAGACTTGTGTTAAAGTACATTCTACATTTTGCCAAG  
TACAGCTCTCCCCCTACACATGAATGTACTACAAAGTACATAGTCATTTGGCTGACTCCAATTTCAACTCATGG  
TTGTACTGCATGTGCAAGAAGTACTTGTACTCTATAATGGGGAATTTGGAAGTACTCTCTCCCTACTCCTCCTT  
CCATGTTTTTCCGTTGCCTGGTCAACACGAAACATCGTTGCTGCATCTTCATGTTTGAGCAACAATGACCGAAT  
TTAATTTTGGTGAATTTTTAATATATACAAACACACTCACACGGTTGCCACACACTGATGGTGTCTTATTTAGG  
ATTCAGTACCCAAATTTTGAGCCTAAAATAAGACATGTGATACTTTGCTAAAATGAACTTCGTAAACGTAGAT  
TGGTCCTCTCTCGCGTTAATGTTCTCGCTCTTTCATTTTACTCCTCTCTCCTCTCTTTCTCGCTCAGAGTCTTAG  
ACTCCAACACGAACTTGTGCGAGATCGAAGACTTGAGTGCACAACAGAGATAGATTTGAAAAGCCGCATGAAG  
AAGAGACCCTCTGCAAAACAATTCCGTGAAGAGAAGCAGCGACAACACTGAGGTACTGAAATGGAAGAGAT  
GTCGTGAGAGCAAGGAGAAATGTTGATCAACGGCGGAGGCAAAGCTCAAGAAAATAAAGAAGGGGAAAGG  
TAAAAAAAAACACAGAGAAAATCAAGAGAAGAAAGAAAAGAAAAGTAAGAAAATAAGTAATTTAATAATTT  
TGATTGATGATGATGTGAGCAGAGAACAAATTTCTAAAATTCACAAGTCAATTTATTTTTAGTGTTTACTTAT  
GTAATTATCTCGTCTTACCGAACTTTAGAAGCGCAGCAATAGCATGGTAGGGAAAAGAGTTAAATATTAAAT  
GGTAGAAAGGGGAAATAGAAGTTTTGTATCGTAAACTAACATTCTTTTTTAAAATCGTTTAATCTTTTTT  
CGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1370 XM\_002880650|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2410, mRNA

TGAAGCATGCCTCGATGACAAGATTGATTTAAAATGTGAAGTTCTGGAAGTACGAGCAAAGAATATTTTCAGT  
GGCCAAGTTGACTCTCAAATGCAAATTACTGGGTCGATATTGCAACCGAACATCTCTGGAAATATTCAATTGA  
GTCGTGGAGAAGCATATCTACCACATGATAAGGGTAGTGGAGCTGCTTCATTTAATAAAGTGGTATCAGACCA  
GTTTCAGTCTTCCTCCTGGCAGTTCGAACCAAGTAGTTGCTTCTAAATATGCTTCGTTTTTTCAATTCGGAATCTA  
CAGCATTGAAAAGTAGATTCCGTGTACCCCGAGATAAAGCTGTTGACATTGAAAAGGAGTCCAGAAATGTAAA  
CGTCAAACCTAGTGTTAACGTCAGCCTCAGTGATTTGAAGCTTGTTCTTGGACCAGAATTAAGGATTCTTTATC  
CTTTGATTCTAAATTTTGCTGTTAGTGGAGAGCTTGAGCTTAACGGTTTTGCTCACGCTAAAAGCATTAAACCA  
AAAGGAACTTTAACTTTTCGATAATGGTGACGTGAATCTTCTTGCACCCAGGTAAGACTGAAACGGGAGCATC  
TAAATATAGCAACTTTGAACTGAGAATGGGTAGATCCTATGCTAGATTTAGCTTTAGTAGGTTCCGAGTG  
GCAGATAAGAATACAAAGTCGGGCAAGCAAATGGCAAGAAAAATTAGTGGTGACGTCAACCCGTTCTGTGGA  
ACAAGATGCTCTCTACCCACTGAGGCTACTCGGGCATTGAGAACCAATTGGCAGAATCAATATTGGAGTCA  
GGTGGGCAATTAGCCTTGGAGAAGCTTGCAACTGCTACGCTCGAGAACTAATGCCTAGAATAGAAGGAAAG  
GGTGAATTTGGTCAGGCTAGGTGGAGACTAGTGTATGCTCCACAAATCCCACTTTACTCTCCTTTCCAAC  
TGATCCTCTCCTATCGCTCACCAGTAATATCTCATTTGGTACTGTTGTTGAAAGTCAGCTTGAAAGCGCATTC  
AGGCCTCCATGATTCGCCAAATGAAGGAGACAGAGATGGCCCATGCATGGATGATCACGTACAAGCTTACGA  
GCCGCTTTGCGATGGTCCTTCATCAGCTCCAGC

>trans\_c\_1371 XM\_002873422|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ATTCATACACGTTTTTGCCCCTTTCTAATTTTCCCCCTTTTCATCTCTTTCTCTCTCACAGATTATACCCTCCCTC  
TCTCGTTTTCTCAATATACTTCCTTCATTAAGTTTCTCTACTTCTTCATTTCTTTGATTGTTCTTAACCACTACCA  
GAGGATACCAGAGTTGGAGCATCTACAATTTATTGTACATGGATGATTATCCTAGTAAAAGAGTTGCTGATGG  
ATATACATCCAGAAGGGGACCCAGTGCAATTTTGAGAGATACTGCAATAGCAGAGACCAAGATGGTAAATA  
TTGTAGCCGAATTGGTTGCAGTGGTAGGCTAAACTCTCCTAAGAGCACACGGGTTAGCTATTCAGAGAAACAT  
AAATCTCCATTGCAGTCTTTTCGTACCTCTCTAGTGGCAAAGAAACAGCCGGAAGTTCTCTAAGACTTACTA  
TGCTGTTTCGAGGTTCCAAGAAATCTGTAGCTGAAACGCAGAGAAACTATCCACCCAGTTAGAAACAGACTCT  
TCAGAAACTAGTAGCACTCAGGATGATCCAGAGATTTCTCAGGTCATCCCATCAGATGAACGGATACGAACTG  
GTCTTCGTGTTGGTCTTAAAAGTTCCAACCTCACTGATGACACAATAATGGAACCAGGAAGCTCCAGTGTCGC  
ACCAAAACAAAGAGGGCGAAGGGATTTCATCAAAGATCTGGAACACGCAATAAAGACACTCCAGAACTTC  
TTCTGTGTTGACAGATTCTAGAAGTACTCGCCGACAGCACGTGGTGGTGCAGGTAGGCAAACATTGAGAAG  
TTTCAGATGTAATTCAGTATCTGATGTCATCTCATCTGGTTGTTCTTCATCAGATCCAAATTCTAGTAAACGGAA  
GGATACAGCAAAAAAAGGAATCCTGAAGCAGAAAGTAGCTCTACAAAAGGAAAGAAAATGAACGGTTCAT  
CCTTGGAAGAAGGCTTACTAGCTCTGGTTATGGCGTTTCTATAGCCGATTCAAGAGGAGCCAAAAAAGGA  
ACTTCTAACAGAGAAAATGGCATCACATCAGGTCGGTCCAGGACGTTGAATAATGGGACATCAAGAGCAAGA  
TCACATGGCAACAGACCTGACAGAAACAGTA

>trans\_c\_1372 NM\_127635|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein (AT2G20710) mRNA, complete cds

AAGGAACTTAGGGTTTACAAGCGGTACAAACATGCTCTTGAGATGTCAAATGGATGAGTGATAAAGTATGC  
CTTCATTGTGCGACTGCTGATATCGCAACACGGATGAATTTGATCTTAAGAGTTCATGGGTTGGAACAAGTAG  
AAGATTATTTCAATAACATGCCTAGTAAGTTGAAAAGGTATCAAGTTCATATAGCTCTTCTTAAGTCTATGCC  
CATGAAAAGTGTGTGGATAAAGCCAATGCCCTCTTGAGAAGATCAAGGAATTGGGTTTTGCTACCACTCCTC  
ACCCGTACAATATCATGATGAATCTTTATACCAAATTGGAGAATTGAGAGATTAGATTCTCTGATGAAAGAA  
ATGAAAGAAAGGGTCTTTATTACGATCGATTACATATAGCATCCGACTAAGTGCATATGCTACTGCATCTG

ATTGTACGGGAATCGAAAAGATTACGGAACAAATGGAATCAAATACAAGTATTGTTCTAGATTGGAAGTGTTA  
TGTCGTTGCTGCAGATGCTTACTATAAAGTTGGCTTAATAGACAAATCCATTTCCATGCAAGAAATCAGAAGA  
ACTCCTAGCAAAAACTGCCGAAAACAAATGTCATGCATTTAATATCTGCCTAACACTATATGCCAAAAATGGAA  
AGAAAGACGAGACATACCGCATATGGAATCTCTACAAGAAAGAGAAAGTCTTCAACAAAGGTTTCATCAGCA  
TGATAACATCACTTTTGATATTAGACGATATCAAAGGTGCGAGGCGTATTTGCGAGGAATGGGAGACCCAGG  
TATGGGAGACCCAGAAACTGTCCTATGACTTGCGAATTCAAACTTGTTGGTTGATGCGTATTGTAGAGCTGG  
TTAATGGAGGAAGCTGAAGTGCTTGTATATGAGATGATGACTGTAAGACGCAAGTTTTCCGTCAAGTCGTG  
GTGCTACATAGCGAGTGGATATCTTCAGAAAGATCAACTACCTGAGGCTGTTGAGACACTGAAGATAACAGC  
CAGTTTGTGTCCATCAAACTGGACTACGTCAAGGAAATTTGGCAGCATTTTGGATGGCAAGCAAGATGTG  
GAAGAAGTTGAGAAGGTTGTTATTTGGTGAGGGAAAA

>trans\_c\_1373 AY368487|Gossypium hirsutum Al-induced protein mRNA, complete cds

ATTCCAATTCCCCATTTCTGCTTCCGATTTATATATACAAACTCTTAATTCATTTTCACTTCAAATACAAAGGA  
AAATTTTGAATTTCTGAGATCCGGCCAAATATGTTGGGCATATTTAGCAGTTCGATCATGTCGCCGCCGGACG  
AACTGGTAGCCGCCGGCTGCCGGACTCCGTGCGCGAAGATATCGTCGAGGGCACTGGCAAAACGGTTCGCTG  
ATTCCAACGCTGCCGCCGTTTCTCTCCAGATAGGCGACCACGTCCACCTTGCTTCACTCACCACAACCAATCTC  
CCTTGCGCCCCAGATCATTTGCGGCGAAGGATGAGATATTTGTTTATTCGAAGGAGCCCTTGACAATTTGGG  
AAGCTTGAGGAATCAATACGGCCTTCCCAAATCCACCAATGAAGTTCTTGGTAATCGAAGCTTACAAAGCTC  
TTCGTGATCGAGCTCCATATCCTGCCGACCATGTTGTCGGCCATCTCGCCGGCAGTTTCGCCTTCATCTCTTCG  
ACAACCTCCACCTCCACTCTCTTCGTGCGCTCCGATCAGATCGGGAAAGTGCCTTTGTATTGGGGAATCACTGCG  
GATGGATACGTTGCATTTGCCGATGATGCTGCTTCTCAAAGGCGCTTGTGGAAAATCCCTCGCTTCCTTTCC  
TCAAGGATGTTTTTCTCTACTGCGGTGGGAGAATTGAGATGTTATGAGAATCCGAAGAACAAGATTACTGCT  
GAACCTGCTCCTGAAGAAGAGATTTGGGGAGCAAAATTCAGGTGGAGGGGCCAACTGCTGTTTCAGCCACA  
GGTTTAGGGTTTAACAATTTTCCAATGGAGATTTATAGATCCACTTGGAGGAGAATGCAAGAATGAAAGGCT  
TCTTTTCTTTGTTGTGGAGTAATAATGTGGTGAATGGTCTTTTATCTCAGTTAGGGCATTGTAAATATGAGTGTT  
TTTAAGGTACAAATTTGCTTGGTTAATTCTAGACTCTTGTGTTTTTATAGGCAAAGAGCAGAGCAATGTATATA  
TCGCCACTACCATACCTGTTCTGTGTTTAGGCCTTTTCTTTAATAAAAAGTGTGCGTCTTTAATGTGTTCTAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1374 FJ619053|Jatropha curcas Al-induced protein mRNA, complete cds

GACACCATGTCCAACCTTCTCATATTTCCGCCTTCACCAATTCCTAAACAACCTCTTCGTTTCTTCTTCTTTTT  
TTTTTTCTTTTTGTCTCTTTTTCCGTTAATTTGTTATTATTTTATTATTATTGAAAGTGAAGCCATGTTG  
GGATTATTCAGCAGTTCATCATGTCCCCGCCGACGAGTTAGTCGCTGCCGGCAGCCGTACGCCGTGCCGA  
AAACCACATCCACCACTCTACTGAACCGGTTCTGTCCAAACCAACCCCTCCGCCGTGTCGCTGCAGCTCGGTGAC  
CACGTCCAGCTTGCTTACACTCACGAACTGAATCCGCCTTATGCCCCAGATCTTTGCGGTGAAGGACGACAT  
CTTCTGTTTATTCGAGGGGGTTTTGGACAATTTAGGAAGCTTACATCAACAATACGGCTTAGCCAAATCGGCG  
AACGAGGTGATTTTGATGATTGAAGCTTACAAGGCTCTCCGTGACCGGGCACCTATCCGCCAGCCACGTGCG  
TTGGTCATCTCAGCGGCAGTTTCGCCTTCATCGTCTTTGACAAGTCCACCTCCACTCTATTGTTGCTTCTGATC  
GAAATGGGAAAGTTCCGTTGTATTGGGGAATTAAGTCCGATGGTTACGTGGCCTTTCCGATAACGCCGATCT  
GCTCAAAGGCGCTTGTGGGAAATCGCTTGCTTCTTCCCTCAAGGGTGTTTCTTATCTACAGCAGTTGGTGAAC  
TGAGATGCTATCAGAATCCTAAGAACAAGATCACTGCTGTTCTGCTAATGAGGAAGAGATATGGGGTGCAA  
CATTCAAAGTGGAGGGTCTGCAGCTTTGGCGGCCACACGGTGAAGAGATTTTCTCATAGCAAAGGACATTTT  
CATATATTTGTGTTTTATTTGTGGTTGAGAATGCAGATCAGAAGAGAGAGAGGGGGGTACCTAACAGACACA  
GATGTGTTTATGTCTCAATTGGGTGTGTTTTTTTTTTGTGTTCTTTTTGCTTGAATCTGATGTAAATCCCTTTT

ATTGCGAAGGAGGCTAGAGGAAATGCAATTTTACAAGCCAGCTTGGAAAGAAGGAAACAAGCTTTGCATGAA  
CGACGGTTGGCACTTGAACAAGATGTCTCAAGATTACAAGAGCAATTGCAAGCAGAAAGAGATCTTAGAGCT  
GCTTTGGAAGTTGGCCTAAGCATGTCTTCTGGACAATTTAATAATTCACGTGGCATGGATTCAAAGACAAGGG

CTGAGCTTGAGGAGATTGCTCTTGCTGAAGCAGATGTGGCTCGGTAAAGCAGAAAGTTGCTGAGCTCCACC  
ACCAGTTGAATCAGCAACGCCAACACAACCTATGGTTCTTTATCTGATGCATGTGGCCGATATCAGCATGTTTCAG  
AATCATGGCTCCCAACTGAGATTTCTTCAGCAAGATTTTGACTCGACACTCGCTTTTGTTAATCATGAAAGGAA  
ACAAAGGAATGAGGAAGGTTTGATGGGAAGTGATTGGAGAAATATCAAAGGACAAGTATTAGGATCTGCCA  
ATAGTAATAAACCAACTCCACGGAAGCTATTTGTGGATTCACTAAGCCCAAGTGAAGTCCAAAAGCACCGAGGT  
TTCAACTAGCATGTCTGTGGATGAAGTGTCTGTTGATTCTGCGTCTTGCCTTCTACTTCAAAAGCAGGAGAGG  
TTTTGGATTACACAAGACATTCAACAGTGCCTTCCTCGACATTGGTAGAATTAACGACACGGCTGGATTCTTC  
AAGGAGAGACGTTCTCAGTTGATGGAGCAGCTCCATAATCTCGATTTAAATTATGGTGCATCATCTCACAAG  
ACTTCATCTATAACAACCGCCATCTCCGCCATGGAAATAACAAACAAGCTGAGCACATGCAAGTCTCTCTAT  
ATCCACAATTAGTTCCAATCATCATTGTTGTATATCCCCCTCTACACCTATATTGTAAGCAGCTTCATTGTGT  
GTGCTTTTTTAGTATTTAAGTTTGGTCTTTCATGGGGATGCCATCTTTAATTTCAATTTCTCTCTCTTTTTTTTT  
CGCTCCTTCTTCTTCTTCTTCTCTCCAATGAGGACTTTGGTTGGTTTTGTTATTATTGTATCTTCTACTTCAC  
TTATTTTGCTTTGATTTTATTGAG

>trans\_c\_1378 GQ988380|Pistacia chinensis fatty acid elongase (FAE1) mRNA, complete cds

GAAGATGAACGGGTTTCAGGGGAAATGACGGAGCCAAAGCCATCCACACCTTTGCTAAGCACAAAAGCACCA  
TCCTCGAGAAGCCTTCCTGATTTTAAGAAGTCTGTCAAAGTAAATATGTGAACTTGGCTATCACTATCTTATC  
ACCCATGGAATGTACCTCTTCTTTCTCCTTTGGCAGTTGTGATTGCGGCACAGCTTCGACATTTTCCCTTCAA  
GATCTTTATGAAGTTTGGGGTCATCTTCAATATAATTTAGTTTCTGTAATCTTTGTTCAACCCTCCTGTTTTCT  
TGTCTACCTTGATTTTTCTTACCCGTCCTCGCCCTGTTTACCTTGTTAACTTTTCATGCTACAAGCCCGATGAATC  
TCGTAAATGCACGAAGAAAATTTTATGGAGCAATCTCAGATGACGGGGACGTTTACGGAGGACAATCTTCAA  
TTCCAAAGGAAAATCCTTGAGAGATCTGGCCTTGGGGATTCAACCTATCTTCTGAGGCTGTTCTCAATATTCC  
TCCAAACCCCTCCATGGCAGAAGCTAGAAAAGAAGCTGAAATGGTGATGTTTGGTGCCATTGATGAGCTTTTA  
GCCAAGACAAGCGTGAAACCGAAAGATATTGGTATCTTGATTGTGAATTGTAGCTTGTTCAATCCAACACCGT  
CGCTTTCTGCTATGGTCATCAACCACTACAAGCTGAGAGGAAACATTATTAGTTACAATCTTGGTGGTATGGGT  
TGCAGTGCAGGTCTTATTCTATTGATCTTGCCAAACAGCTGCTTCAGGTCCATCCCAATTCCTATGCCTTGTT  
ATTAGCATGGAGAACATAACATTGAAGTGGTACTTTGGGAACGACCGATCAAAGCTTGCTCTAATTGCTTGTT  
TCGGATGGGTGGAGCAGCAATATTACTTTGAAACAGAAGATCTGAGAGAAGGAGGTCCAAATATCAATTAAT  
ACATACTGTTTCGTACCCACAAGGGAGCAGATGATAAGTGCTTTAGCTGTGTTACTCAGGAAGAGGATTCAACT  
GGGAAGATTGGTGTCACTTTATCGAAAGACTTAATGGCAGTTGCAGGTGATGCATTGAAGACTAACATCACAA  
CGTTGGGCCCTCTTGCTGCTGC

>trans\_c\_1379 NM\_001055987|Oryza sativa Japonica Group Os03g0228500 (Os03g0228500)  
mRNA, complete cds

AAAGCTATCTTTGTAGGGCAAAGACGATCACGACAATAGAAGACACGTAGACCTTCGAAGCTTGAAAGAAA  
AACACTGATTGTTGTTAATGGAGGTGCGCCCCAAGATTAGTGGAGAAGCTGTTATTGAAAAGCTCAAGGATG  
ACGGCGACTTCGACAAACTCCGTCTCAAATCATTGCAAGCTGAAAGATAATGAAGAATTGCGCAATAATAT  
TGTTGCAATAGTGAAGCAATCGGCAGCACTTAATCGGGCAGGAACTGAAAATGTGAAGCCTCGGCAAATTC  
TGATGCGATATATGATGAGGTTGGGGAAGAAATAATGAGCAAGGTTTCTGATAACTTATGGGAGATAATCAG  
ATCAGCTGATGGCATGAAAAATGAAATCACTGAAACGGTGCAATCTGTCTACAATAAGTTAGCGAACCCGAAA  
GCGGAGGAAAATGCCGAAGCATCTACCCACCATGCTGTACCAGTTTGAAGGAAGGTGATAATAATGGTTCT  
ATGAAGGCCTCCACCAGTCAGTTAGAACATTCTGAGGCTGATCCGGAAGAACCTCCCGGTTTTTCTTTTGCTGG  
TAATCATACAAACAATGGAAAGCAGCACATAGAGGATCTGCAATTTCCAAAACATCGTGAAGGAAGACACAG  
CAACGATAGTCGAAACTTAGAGGGACATAATCCAAACAACGTGTCTGATGCAGATAATGTTGATCTGCCGCCA

GGCTTTGTTTCAAACAGGAAGCACAAACCAGATGTTGATGATGATGAAGACCCAGATGTTCCCCCTGGCTTCG  
GTTGAAAACTAGATTTTTATTCGGTTTTCTTCTATTATGCAGTCACCAGTTTTGAGCATATAGCAACAAGTAT  
TTGATCAAATCTTGTGTTGCTACATGATGAACAAAGTCGGGATTTAACAAGTATCATCTCGTCTCCCATGGTT  
TGTAATGGATGCAGGTGATGGTTATAATGTATAAAGTCTGAGTTCATGTGGATTGAATTGTGAAACACTATG  
TTGAGAATAGAACGTAGTTCATATATAAGGTATAAGATGTTTGATAGAAATATCTAACCATACGAGATGTTTCT  
GTTATCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1380 AY429438|Gossypium barbadense fiber protein Fb34 mRNA, complete cds

AGATGTTGAGAAGTTCTTTCTCTTCTAATTTTTTTGCTTCTTCTCACTGTTTTCATATTCACCAGTGCAGAG  
CTTCCTCTCTGTTACTCATATAAACCCCAACCAGAAGAGAGAGACAGTACACAGAGAAACATTGCTGAATCTG  
CTCAACAATTGAGTAGAAAACAGATAACAGGGCAGATCTGGGGAAATTAAGCTTTGGAGCACACAATTCCTC  
AATCAATGGCTTCCAAATTGATTCTGATTATAGTTTTTGTCTTGATGTTATTGCTTTTGGCCTGGCTGTTGCCG  
CTGAGCAAAGAAGAAGCACTGCTAACGTCGTGCAAGATAAAGAAAAGGACTACAATATTGTGTGTATGATT  
CTGACGTCTCAACAGGCTATGGAGTTGGTGCTTTTCTACTTCTCATGGCCAGCCAGACCCTCATAATGGCAGCT  
AGCCGATGCTTTTGTGTGAAAGTCGTTAAGTCCTGGAGGTTCAAGGGCATCGGCTGTTATCCTATTCATAAT  
CTGCTGGGTGTTTTCTTCATTGCTGAGGTTTGCTTGTTTGCGGGTTCAGTAAGGAATGCCTACCACACCAAGT  
ACCGAACCATGTTGCGTGACAATCCTCCATCATGCCGAACCTTGAGGAAGGGAGTTTTCGGTGCTGGTGCAGC  
ATTCATTTTCTCAATGCAATTGTATCAGAACTCTACTATGTATTCTACTCAAAGGCAAGAGAAAGCTTTCTTCC  
ATACGGCGGAGAACTGGCGTTGGCATGGGAACCTACAAATGAGTGAATGTTTAGTCAAGCTTAATAGGTTA  
CACTTAAGCTTCCATCGACATTCCCAGGACGATTTTGAGATAATTTTACATATCAACTACTGGTTTTAGTTAGGA  
AGAAATGTCAGTATCATAATTTTTACTGTGTAGTTATTTTAACCAGGGCTGCTGGGCTTTTTTCTTTTCATATT  
GGGTGGATTGTTACATTTGTATTGACAATAAGAGACTTCTACAAATAGTTGTATTTTTTATGAGACCTCAGTG  
ACATATATGTTCTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1381 NM\_101692|Arabidopsis thaliana basal transcription factor complex subunit-related (AT1G18340) mRNA, complete cds

ATTGGGAGCCGAAGTGAAGCGTCTTCTCTCCGTTGCCATTCTGAAGCAGCCATGGCTTCAGCTCCTTCGAAGCT  
CTACGCAGATGATGTTAGCCTTCTAGTGGTTTTACTGGATACGAATCCATTTTTCTGGAGCACATCTTCTCTCC  
GTTCTCCAAGTTTCTGTCTCGTGTACTTGCTTTTCTGAAGTCCATTTTAGTACTGAACCACTTAATGAGGTTGT  
GGTTATTGGTACTGGATACGCTTCATGCAAGTATTTATACAAGTCTGCTTCTTACTCAAATCATGGCCTTGAAG  
ATGGTAGAATGCCTGCACCTTGTACTCGTTTATTGAAGAATTTGGAGGAGTTTGTGATTGGGGATGAGCAGTC  
CATCAAGGAAGATCCCAAAGGAGGGACAATGTCTTCACTTCTTCTGGATCGCTCTCCATGGCCTTGTGTTATA  
TACAGAAAGTTTTCCGCTCTGGATCTCTCCATCCCCAACCAAGTCTTTGCTTGCAAGGATCCCCAGATGGT  
CCTGAACAATATGTTGCAATCATGAATGCCATCTTTCTGCTCAGCGTTCAATGGTTTCTATAGATTCATGTTAC  
ATTGGTTCACACAATTCTGCATTTCTTCAAGCAGGCTCTTACATAACGGGTGGAGTTTATCTGAAGCCTCAGCA  
AATGGATGGGCTGTTTCAGTATCTCGCTACTGTTTTGGCACTGATTTGCATTCGCGACCTTCTTACAGCTTCC  
AAAATCCATTGGTGTTGATTTTCGTGCATCGTGTTTTTGCATAAAAAAACGATCGACATGGGCTATGTCTGTT  
CTGTTTGTTTATCTATATTCTGCAAGCATCACAAGAAATGTTCTACCTGTGGGTGAGTTTGGTGAGACACCT  
GTAGAACTCGATTCATTGTCTAACTGAAAAGAAAACTCCAGAATGATATGACTTTGAACATTTGTTTTAC  
TTCTATGGCTATAGAAATTGTTCCATTTTCTTCCCTTCTTGAAGCTGTTGGAAAGTGGAATTCATTTGGTTCA  
CTTGGCATGAACGGAGATGACTTAAATGATACAGTTGCTGAAAGAGTCAATCTCAACATTGTACAATTCAGAT  
CAATAGTGGTCAATT

>trans\_c\_1382 NM\_121866|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT5G18610) mRNA, complete cds

TTGCTTCACCCGAATCTTGTTAACTTGATAGGCTATTGTGCTGATGGGGACCAACGTCTTCTTGTTTATGAGTTC  
ATGCCGTTGGGTTCATTGGAAGATCATTTGCATGATCTTCCACCAGATAAGGAGCCCTTGATTGGAATACCA  
GAATGAAGATTGCAGCTGGTGCTGCGAAAGGATTGGAATATTTGCATGACAAAGCAAACCCCCCTGTTATATA  
TCGAGACTTGAAGTCATCTAATATTCTTCTTGACGAAGGCTACCATCCCAAGCTGTCAGATTTTGGTCTTGCAA  
AACTGGGTCCAGTTGGTGATAAGACTCATGTCTCAACGAGAGTGATGGGAACATATGGTTACTGTGCTCCAGA  
GTATGCCATGACTGGCCAACTCACTCTCAAATCGGATGTATATAGTTTTGGAGTTGTCTTTTAGAACTTATCAC  
AGGACGCAAGGCAATCGATAATACCAGAGGTCCAGGGGAGCACAATCTGGTTGCATGGGCTCGGCCACTTTT  
TAAAGATCGACGGAAGTTCCTAAGATGGCTGATCCACTATTGCAAGGTCGATATCCCATGCGGGGCCTTTAC  
CAGGCATTGGCAGTTGCAGCAATGTGCTTGACGGAGCAGGCTGCAACAAGACCTCTAATTGGGGACGTTGTT  
ACTGCTTTGACGATTTAGCTTCCCAAATTATGATCCTAATGCAGCTGCTTCTCAAAGCAATCGAATGGGTGG  
TTCTACTCCGCGAGCCCGAGATGAACGAAGAGGTTTTCCAGATGGACTGGATAGCCCTGATGAGCGTGGACG  
AGGACGTGGTTCCTCATCGAACTACAGAAATTCACCTGATTACCGAAAGAAAGACTTCCATAGGGAATTGAGT  
TGTGGAGGTACAGAGCTGAGCAAAATTGACACTGGAGGTGGATCTGGTCGAAAATGGGGATTGGATGAGCT  
AGAACGACAAGAATCTCTGCGAGACAGTCCTGTATATGCTGGGAGAGCAAGGGAAACGCCAAGGAACCGCG  
ACCTAAACAGAGAACGTGCAGTTGCAGAAGCAAAAGTATGGGGTGAAAACCTGGAGAGAGAGAAAGAGAGC  
AAATGCGCAAGGCAGCTTTGACGGTTCACAAGAATGAA

>trans\_c\_1383 NM\_117821|Arabidopsis thaliana RABB1C (ARABIDOPSIS RAB GTPASE HOMOLOG B1C); GTP binding / GTPase (RABB1C) mRNA, complete cds

AACACAACACACACTAACCTCCCTTTGCCTTCCCTCCTTGGAACCTCCGCAATTGAAACTCCACCCTCTTTACCGT  
TTCTCGACGTTTCCCCATTTTCTTCCACCCATCCATCCCCCTCCCCCTTAATTCCTTTTCTGTTCCCTCATTCTT  
CCATTTCTCTCCCCTCCCCTCTCCTTTTCTTCTTCGATTCCACCTTAATATGTCATACGCCTACCTTTTCAAGTA  
CATCATCATTGGTGATACTGGAGTTGGAAAATCATGTCTTCTTCCAGTTTACCGATAAGAGATTCCAGCCTG  
TTCATGACTTGACTATTGGCGTAGAATTTGGTGCGAGGATGATTACCATTGATAACAAACCAATTAAGTTGCA  
AATTTGGGACACGGCTGGTCAAGAATCTTTCAGGTCTATTACGAGGTCTACTATAGAGGTGCTGCCGGAGCA  
TTGCTTGTCTACGACATCACCAGGAGGGAGACTTTTAATCACTTGCTAGCTGGCTTGAAGATGCAAGACAAC  
ATGCTAATGCAACATGACAATAATGCTGATAGGTAATAAGTGTGATCTTGACACCGAAGGGCTGTCAGCAC  
TGAGGAAGGGGAGCAGTTTGCAAAGGAGCATGGTTTAATTTTATGGAGGCCTCTGCTAAACTGCTCAAAA  
TGTCGAGGAGGCATTCATTAATACTGCTGCAACCATATATAAGAAGATCCAGGATGGAGTGTTTGATGTATCT  
AATGAGTCGTATGGGATAAAAGTTGGATATGGTGGAAATCCAGGGCCATCAGGAGGTAGAGATGGTGCTAC  
AGCTCAATCTGGGGGTTGTTGCAGCTAAATCTTGCTGCTCAATATAGTGTATCACTTTGATGTTCTCTTTAAAT  
TCCTTCGTTATCTATGAGTGCCAGAAAACTCCCCCTCCCCCTCAAAATAGAAGGAAAAAGAAAAAGAATGAAA  
CCGATAATAGGTTATCAGGTATTTGTATAATCATTTGTTGTGTTCTGCTTTTTTTTCTTCTTTTCAACAAAGTTAA  
TTATGTCTTCATCATATTTGATTGTAAAGATAAATTCATATTAATGCATGTTATTGGTGACCATAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1384 XM\_002889668|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata prenylated rab acceptor family protein, mRNA

ACCATCAGCCCAACCTTCGCTAACTCCATTTTCTCTCTCCAAAACCCATTTCACAATTCTTTCCTTGCCAACGCTT  
GATCGGTTTTGGGATTTTTCACAGCTTCTCCAATGTCCTCTAATCAGCCATACCCATATGGCTTCACTGAAACTT  
CCATTCTATCACGCGCCAGAGCCGCCTCCGATTCGGTTTATGCCACTTTACGGCCATGGCGGGAGCTTCTTCAG  
CCGTTATTGTCCTTTACCCGGCCTTCATCCGTTGGGGAAGCGATTATTCGGTGTAAGCGTAATCTCAAGTACTT



TCGTGTTAATTACACCTTCATCGTTTTGCTCATTCTCTTCTCAGCCTCCTCTGGCACCTGTTTCGTTGATTGTAT  
TCTTGGTCGTGTTGTTGCGTGGTTCTTCCTTTATTTTTCCGGGATGAGCCGTTGGAGGTGTTAATCGTGGTG  
TCGATGATCGAGTTGTGTTGGTTCTGCTTGAATTGTCACGATTTTCGCTTTGGTGTGACGGATGTTTCGTTG  
AACGTATTGGTTTCGATTTTGATTGGGGTTTTCTTGTTTTGGTACATGCCGGCTCTAGGGTTAGTGATGATTT  
GTATATTGACGAGCAAGAAGTCGCTGATGGAGGATTGCTTTCGGTTGTCGGCAGTCCGACTCGAACAGAGTA  
CAGCCGAATCTAGATAAATCACTGATTCATTTTGCTAGGTTATGAATTATGAATGATCGTCTCGCCTAAGTTGA  
TTCAAGTTCTTTGTGCTACAATTCGAAATTCGAACGAGCTCTTAGAGACCAAGTTTTCTCTCTAGCGTTCACTT  
GAAGATCCCGGTTTGATGCCACTGATTGTTTCAGCGATGATTTTTCAATTCATTTAGGGTTTTGCTTTTGT  
AATGTTTGTTCAAATGTTTGAACCTGTAGTTTTAGTTGATGGTAGCGATATACAGAGTTTTGCTAGGTTAAAT  
CGTGGATTTTATTCCAACATTACTTCTATTTGTGTGTGATTATGAAGGGGGTTGCAATGTTTTGGGTTTCGTTTG  
TTCTTTACTTCTGGAAAGAAGAAATGGTAAATAGTGGATCTCAATTTTGTCTGTAACGTTCCGTTAAGATATTC  
TATATCTGC

>trans\_c\_1385 NM\_001059532 | *Oryza sativa* Japonica Group Os04g0461600 (Os04g0461600)  
mRNA, partial cds

ATTATTGACATTTTCTCTCTTTTCTTCAAATTAATATTGGCACATCCACGTAGACCGAGTCTTGTATTTAATTT  
TTAAAAAACTCTCTCTCTACATCTTCTTCTTTGTTATAACACACAAAACAATCACTATATATTGGAGTATAC  
AACAACCTCACTGCCCACACTTGTGTCCCAAACCTTAGTTCAATTTTGGTTTACTCTTTTAAATATCAAAAGATG  
GGCAGCGACGATGGTTTTCTGACCAACTCCGACAACGAGTCGCCATGGTCCAGCGGCCTCTGTGATTGCTTCT  
CCGATATGGGATCATGTTGCTGTACAACATGGTGTCCATGTGTGCCATTTGGGCAAGCCTCAGAGATCATAGA  
CGAAGGATCAACTTCTGTTTTGGTAACGCATTAATCTTTGTCTGATTGCTTCCTTTACGCCCTGTATTTGCCTT  
TACACTTGTTCTTATCGATCTCGATTGAGGAGAAAATACAACCTCAAAGAAACACCATGCAACGATTGTTGTGT  
TCATTGTTGGTGTGGAGTTGTGCTATGTGTCAAGAGTATCGTGAGCTTAAAAACCGAGGTTTCAACATGCAT  
ATCGGTTGGCAAGAAAATGTGCAGAGACAAAATAAGGGAATAGAGATCCACCTACTGTCCCGGGACAAATG  
AAACGTTGAAGTTAATTAATGCAAGTGATGGTTCTCCCTCCTTTGATTTTGCCCTTGAGTTCAATAATGTGTG  
GAATTATGTCTTAATCTTTGTGTGATTAAACCATATTAGTTAATCTGTATTCTTTGGTTTGTCAATTATTTGTTCA  
CTTGATTTTAAACTTGTGAGAAAACCTCTCCCTAAATAATAATTGAATAAGATTTTCATTTGTTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGC  
CCCCCCCCCCCCAAAAATTTACAAACCCCCCACCCCCGGGGGGGCCCCGGACCCCATTTCCCCCAAAAG  
GGAGACATAATACCCGCCC

>trans\_c\_1386 AB248117 | *Zostera marina* ZmVHA-B1 mRNA for vacuolar H<sup>+</sup>-ATPase subunit B,  
complete cds

GTGAGGTGTCTGCTGCACGAGAGGAAGTGCCTGGAAGGCGTGGATACCCTGGTTATATGTATACTGATCTTG  
CTACAATCTATGAACGAGCTGGACGTATTGAAGGACGTAAAGGATCCATCACTCAAATCCCAATCCTCACCAT  
GCCTAACGATGATATTACACATCCTACTCCCGATCTTACTGGTTATATCACTGAGGGACAGATCTATATCGACA  
GGCAGCTCTACAACAGACAGATATACCCACCAATTAATGTCCTCCCTTCATTGTCTCGTCTCATGAAGAGTGCC  
ATTGGTGAGGGAATGACCCGTAGGGATCATGCTGATGTATCCAACGAGCTCTATGCAAATTATGCAATTGGGA  
AGGATGTTCAAGCCATGAAAGCCGTGGTCGGAGAAGAAGCACTCTTCTGAGGATCTGCTCTATTTGGAGTT  
TTTGACAAATTTGAGAGGAAGTTTGTCACTCAAGGAGCTTACGATACTCGAAACATTTTCCAATCACTTGACC  
TGGCATGGACACTGCTTCGTATTTTCCCTCGTGAACCTCTGCACCGTATACCTGCAAAGACTCTTGATCTGTTTT  
ACAGCCGAGAATCTGCAAATTGAAGAACCAAAGCTCTTATATACCCTTAAGAGGCCGCGTAGATAGATCATAA  
TGAGCTTGAGAAATGTTATTTTCAGTCTCTCCCCCTTTCAGTTTTCTCCCTTCCCTTCTCTCCATATTGCATA

AATTCAGAGTGAAGAATAAAAGACCCAAAAAGAAAAAAAGTTGTGTCCATCTCATTCTCACAGTTGAGCCTC  
TTTCCAGGTGAAGTCAGAATGGGAACCTACATTCTTTTAGCAAAGAACATCAAGCTCTTCCAATGTTTGTATAAT  
GTTTAATTATTTGTTGGATTGTGGCATCTGTTCTACTTTAGGGCATGCTCAACAACCTTTTAGGGGCATCTAAGTT  
CTTATAAAAAGGCCCTTTCCAATTCCTCTTTCTTGTCTATTTATATAAGTTGATGTATCATATCTTGTATTCT  
GAACAGTTTTGAGAATTCCTGAAGAGTTCAGTTTGATGTTATTATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1387 GQ292788|Gossypium hirsutum UDP-D-glucuronic acid 4-epimerase (GAE2) mRNA,  
complete cds

ACCCACATCCTCCACCTGGCAGCTCAAGCCGGTGTTTCGTTACGCTATGCAAAACCTCAATCTTATGTCAATTC  
AAACATTGCCGGATTCTGTGAACCTTCTAGAAGTTGCCAAACCGCCGATCCACAACCCGCAATTGTTTGGGCTT  
CTTCCAGTTCCGTTTATGGCTTAAACACGGAAAAATCCCTTCTCTGAACCTCCACCGTACGGACCAACCCGCGAGT  
CTCTACGCCGCCACGAAGAAAGCCGGCGAGGAAATCGCTCATACTTATAATCATATCTACGGACTTTCCTCAC  
CGGACTCCGATTCTTCACTGTATACGGTCCATGGGGAAGGCCAGACATGGCGTATTTCTTTTTCACGAAAGAT  
ATCCTCCAAGGAAAAACAAATCGATATCTACAAAACCTCATGACGCGAAGGAGGTGGCGCGTGATTTACGTACA  
TCGATGATATTGTGAAAGGGTGTTTAGGAGCGTTGGATACGGCGGAGAAGTCAACCGGGAGCGGCGGAAAG  
AAGAAAGGTCCAGCGCAATTGAGGATTATAATTTGGGGAATACGTCGCCGGTGCCGGTGGGGAAATTGGTG  
TCGGTGCTGGAGAATCTGTTGAATACAAAGGCGAAAAAGCACATAATAACGATGCCACGAAACGGCGACGTT  
CCGTTCACTCATGCGAATGTTAGTTTAGCGTTGAAGGATTCGGGTATAAACCGACTACGGATCTACCAACGG  
GGCTCCGAAATTCGTGAAGTGGTACGTTGGGTATTATGGAATACAGTCGAGGGTAAAAAGGAAAGTGAG  
AAAAATAATAATCACTCACCCGAGGAATCCGCTTGATTGGTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTCCGTGCG  
TCATCGTCACATGGCCTTCGTCGACTTGTCGTTTGATCCTCTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTTTTTTTTT  
TTTATTTTTTATTTTACTTATTATTATTATTGTTGTTGTTGTTATGGTGATTATGCTGTAGAGGATCAAAGGTAT  
CCACAGCTGTTGTTGATGTTGTAGAAAAAGAAAATAGATATAAGTTATATGAAAAATAATTTTTATAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1388 Z97337|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 2

ATACTAAACGACTTCTCCTTCCACTGAGCTTCTTTGTTGAGTCACAGCTTCATTTGTTGTTGAATACTTCTTGGTT  
TAGCAGATTGCGTCCATTACCAATTCTGGGGGATTTACGGTTCTCTTGGCATAATGGCTCGGACGCAATAGC  
ATTAATGTGGCCATCTGATTGATGGTTAGCCTCAATCCCATTTAATCCTGGAAACACCACAAACATTTTGTCTA  
AAGCAACCTTTTTTGTACCCCTTTTCATGTTTTTTTAAATGTTTTGTTCTCATTTGGGTAGTTGGTCACTGTGTA  
TGGAATTTGATACAATTTAGGATTTGATTATGGATTAGCTGTACTTCATCATTTGGAGTTCGGTTCATTTGTGAT  
TAGTGTTTTGGACATGAAATATGCATCTGAGCAAGTGATGATTTATATTCAACAAAGCTGATTAACATGTGAA  
GTTTATTAATTCGAGCTTTTTAAACTGATGCTCAGATAATTTCTGTTCAATACATAGAGTCGAATTGAGTA  
GCTAATAATTTTTAACTAATGATAACTTTGAAAGTGATCAGCAACAGGTGAGCTTGTTTTGAAGCAAAAGTG  
AAATTCCTGCTGTGGCATAAGGCCTAACATCATTCAAATGGCAATGTTATTTAAGATCTTTGTGGAGCTTGTTG  
AAGAAGCGAGCAAGCAATTCGAGAGCCTAAATTAGTAATGCTGCTAACTCATGAAGAACATTGAGAAATAG  
GAATTTATGCATATGGTTTTATGTTTTGAGGTAGTGTACTGAGACCTTGAAACGTGTATCATCTGTGGTTAT  
AAATCACAATTTGAGTCATTTAAGGACGAAGTTCAAAAATTTTCGACCGAACAGAAAGAAATATCAATCCTTT  
AGAGAATACACTCCATATTCGTTCTATAATTCTGTTTGTTCAACAATGATGAATCATATGTTATCGAGTTCAA  
AAATCTGGCTCATGTTGTAGCTCTGTACAAAAGTTCCCTGAATAAATGGTATGGAATGAAACAATCATCCA  
GTATTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1389 AB014457|Pyrus pyrifolia mRNA for senescences-related protein, complete cds

AAATCTTAATTATTTCTCTTCCTTAAGTGTTTTGAAAAGTTGTCAGGGAATAATGAATAATTAATCTCATCATTA  
TCGTCATCATCATCCATGAATATTAATGATTACTTTGTGTAAATCCAAAAGGAAGTTGACGAGGAGGATTCT  
TCATACCCCACTTTTCCATTGCTCTTGATTCAACATTACACCTCAGATTCACTTACCCTTTTCTTCTCTTCTTCT  
CTGTTCCACTCCAGAATTTCTAGTTACAACAGAGCTCCAGTTTGTTGATCCATGGCGTCCTTCAACCTTACCCAA  
TTCAGAACTAAAAACCAATTCCCAACCTCGCTCTGAATCCGTCGCGGACGGGTTTGACTCGACCAACTAGACT  
TGGGTTTAGAGTGTTGCCTCCGGCAAGCCTCAGGCGGAGCCCGATCTCAGTGTGACGGTCAATGGGTTGAA  
CATGCCCAACCCGTTTGTAAATTGGGTCGGGTCCGCCAGGAACTAACTATACGGTTATGAAGAGAGCATTGAT  
GAAGGTTGGGGGGCTGTGATTGCCAAACTGTGTCACTAGATGCAGCAAAAGTTATAAATGTAACCTCTAGA  
TATGCCCCGGCTACGAGCGGATTGAATGGCTCTGCAAAGGGGCAGATTATTGGGTGGGAGAACATTGAATTG  
ATAAGTGATAGGCCTCTTGAACCTATGTTGAAAGAGTTCAAGCAGTTAAAAGAGGAGTATCCCGATAGGATTCT  
TTATTGCTTCAATAATGGAGGAGTATAATAAAGCTGCTTGGGAAGAACTTATCGATCGAGTCGAACAACTGG  
AGTTGATGCGTTTGAAATCAATTTCTCATGCCCTCATGGCATGCCGAACGGAGAATGGGTGCTGCAGTTGGA  
CAAGATTGTGCACTTCTGGAAGAAGTTTGTGGATGGATTAATGCAAAGCTACAATACCTGTTTGGGCAAAAA  
TGACCCCCAATATCACTGACATTTACAGCCTGCAAGGGTGGCTCTGAAATCAGGATGTGAGGGAATAGCAG  
CCATCAACACGATCATGAGTGTAAATGGGGAATTGATCTCAAAACTTACGTCCCGAGCCTTGTTGTTGAAGGGG  
TATTCAACTCCAGGAGGCTATTCT

>trans\_c\_1390 NM\_113489|Arabidopsis thaliana LTA2; dihydrolipoyllysine-residue  
acetyltransferase (LTA2) mRNA, complete cds

CTGAGACTGAAGAGGAAGTCGCTGAGGCTAAGGCTAAAGCTGCGTCTAATCCACTTCGGCTCCTGCAGCTCC  
CGCGGCTGCTGTTTCTCCCTCTCCTCCCCCTCCCTCTTCGAGTCTGCTCCGGCAATATCTCAGCCATCGCCTCC  
GTCGGATGGACCAAGAAGATTGTGGCTACTCCTCAGGCGAAGAAGCTAGCCAAACAGCATAAGGTGGACAT  
TGGATCGGTAAGTGGTACTGGTCCATTGCGTCAATTACTCCCGCGGATGTGGAGGCTGCCGCTGGAATTGCC  
CCTTCGAAGTCTGCTGTAAGCAATGTAGCTTACCCGTGGCTTCTGAGGCTGCTTCAGTGGCTGCCGCTGTTCC  
ATCGAAAGCTTCAGCAGCTCCTTCCAATTGCCTCCTCCAGTTCAGGCTCGACGGTTGTGCCCTTCACGACAA  
TGCAGGCGGCGGTGTCTAAGAATATGGTGGAGAGTCTCTCTGTTCTACATTCAGAGTTGGCTATCCGGTGTCT  
CACTGATGCTCTGGATGCGCTCTATGAGAAGGTGAAACCAAAGGGCGTCACAATGACTGCCCTCTTAGCCAAAG  
GCTGCCGCAATCGCCCTCGCTCAGCATCCAGTTGTAAATGCAAGCTGTAAAGACGGGAAGAGTTTTACGTATA  
ATAGCAACATTAATATTGCAGTAGCCGTGGCTATCAACGGTGGGTTGATAACACCTGTTCTTCAGGATGCAGA  
CAAGTTGGACCTCTACCTGCTGTCTCAAAAATGGAAAGAATTGGTTGAGAAAGCTAGATCCAAGCAGCTTCAG  
CCCCATGAATACAATTCAGGAACTTTTACTCTTTCCAATCTGGGAATGTTTGGAGTGGACAGGTTTCGATGCTAT  
ACTTCCTCCTGGCCAGGGAGCTATCATGGCCGTTGGAGCATCAAAGCCTACTGTTGTCACTGATGCTGATGGC  
TTTTTCAGCGTGAAAAGTAAATGTTGGTCAATGTGACTGCTGATCACCGAATAGTTTATGGTGTGACTTGG  
CTGCCTTCTTCAGACCTTGCAAAGATAGTTGAGAATCCAGAAAGCCTGACCTTGAGAAAGTCTTTATTTGCA  
TGTTTTCAGATCAATTAACCTTGAC

>trans\_c\_1391 NM\_179471|Arabidopsis thaliana SPA4 (SPA1-RELATED 4); protein binding / signal  
transducer (SPA4) mRNA, complete cds

TGATGGAGAATTTTTGCCACAGCTGGTGTTAATAGGAAAATTAAGTGTTGGATATGACTCAATTGTGAAT  
GAAGACCGTGATATTCATTACCCTGTTGTTGAAATGGCCAGCAGGTCAAACTAAGCAGTGTGTTGTTGGAACC  
GTTACATAAAAAGTCAAATTGCTTCAAGTAATTTGAGGGTGTAGTGCAGGTATGGGATGTCACAAGAAGTCA  
AGTAGTCACTGAAATGGGAGAACATGAGCGGCGTGTATGGTCCATTGACTTCTCATCGGCGGATCCTACAATT  
TTGGCAAGTGGGAGTGATGATGGATCAGTTAAGCTCTGGAGTATCAATCAGGGTATAAGTATTGGAACAATC  
AGAACAAAAGCCAATGTCTGCTGTGTACAATTTCTGTGGATTCTGGTCGGTCCCTTGCAATTTGGTTCAGCTGA

TCACAAAATTTATTACTATGACATGCGGAATATAAGAGTACCTCTGTGCACCTTCACTGGACATAACAAAACCTG  
TGAGTTACGTCAAGTATATAGACTCGAGCACTCTTGTTTCTGCATCCACTGATAACACTTTGAAGCTCTGGGAT  
TTGTCTATGCCACGTCCCGGTTGTTGATACTCCAGTTCAGTCCTTCACAGGCCACATGAATATTAAGAACTT  
TGTGGGGCTGTCCGTTTCTGATGGTTACATTGCTACAGGTTCAAGAGACAAATGAGGTTTTTGTCTACCACAAA  
GCCTTTCCAATGCCAGCATTGTCGTACAAGTTTCAAATCGATCCTCTTTCAAGTCATGAAATGGACGACTCTGC  
ACAATTTATCTCTTCGGTTTGTGGCGAAGCCAGTCGTCTTCATTAGTAGCTGCAAACCTCAACTGGGCATATCA  
AAATTTTGGAAATGGTTTAGAAGAGAGGGGCAATGCCTTAAATAAGGATGTAACCTTGCTTACAGAAAAATTG  
AGGCAGAGATATATGTTGCGGACCCAAGAAGCTCATGCAGCTATAACTTTTTACAAAGGTTAGATCTTAATAT  
TAAGCAACAATAATTTGGCAAGTATATCAGAGTCGGTTGGGGACTTTTGTGGAAAAAATGGTGGTGTTC  
AGTTTGTAGATAGAAATCAAAGAGTA

>trans\_c\_1392 EU373060|Gossypium hirsutum gland development related protein 70-like mRNA,  
complete sequence

AAAGTCACAAAATTGCTTCTACAAAGAGAGTTTAGATAAAAACTTTAAAAAACCCCTCACCTTCTTCTCTTCTTC  
CTCACTCTCACGACGTTCACTCCCCGCGAATACCGAGTGGCGCGAACTCCGGTCGACGGCAAACACGATTTTA  
GTTCTAGAGATAAGATGCTTCCATAGAACTCAACTCACTTCCAGAGGACACAATAGAGAAAATGCAGAAATTG  
GGAGATTTCAAGCTACCGCATTCTTCAATTATCCTCCATATTTCACTTTGCAACCAGTGAGGGACACCCGTGA  
GAAGCAAATTCAACTTTGGAAGGAAGTTATCCTTGATTACTGCCGAACGCAAAAGATATTTGTCATTGGACTTG  
AAGAGGACTTTCTCTATTTTCAAATTCTGTGATTGAAAGATCTCTCAGTCATGAAGCTAGACAAGCTTTTCTCT  
CAGCTTTAGTTTCAGATGGTCGTGCAGAATGGCTGGATAAAGGACATAGGAAATGCCTTATTTTATGGCACCG  
GATTCAAGATTGGGCTGACATCATTTTGCACCTTTGTGAAAAATAATGGACTTGAAGATAGTGTTATGACAGTC  
GAGGAAATACGTTCAGGAGTTGAATCTAGAGGAACAGAGCTTCAAGGGATCGATCGTACGATATTAATGAGA  
GCATTGAAGCTACTTGAACAAAAGGGGAAGCTTGCAATTTCAAAGGTTCTTCGACAGATGATGAAGGCATTA  
AATTCTCTGTATAACTAACTACCAATGTTTATTACATTCACTGGCAATCTTTCTTTTTTCAACACTTCTAAATGC  
AACTTTTCATTTAGTTTCCCCCAATTCCAAGTGGGATTTTGGGATTATAGGTTCTTGGTGCAGTTCTTTGAATG  
TAACCAAGTGGACCTCCCAATAGAACTTAAAAGTTAAAAGGACCTAAGCTTGGGGGTGAGGATTAATTTTG  
ATGTCGATATTGATATTGAGGTCTCAAAGTTACATATATATCGACACATGGACATGTATTTTCATCCTTTCTTAA  
GAGTGCTTTGGAAAATATTTGTTTTGTATTGTTAAAAAATCTAAAAACAATCATATTATCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1393 NM\_126228|Arabidopsis thaliana atnudt17 (Arabidopsis thaliana Nudix hydrolase  
homolog 17); hydrolase (atnudt17) mRNA, complete cds

AATCCTAATAACTGATATTCTTGGATAGTTTCGATCTACATCTCTCTCTGCTTTCTGGGGTTTGTTCAGATT  
CTATTTCTGTTTCAGAAAGGGGGCTGGCTTGCTTGGTTTCTCGTACCGGAAGAGAATTGCAGAGATATAATCAT  
ATGGGTTTTCTGCAAGTTGTGGGTTGTATACCTTACAGATTTAAATATAATGAAGATGGGATGAAGATTTGTA  
ATGAATATGAGGTGCTTGTGATAAGTTCTCAAAGGGTCAAGGCCTGATGTTCCCTAAGGGTGGTTGGGAAC  
TTGATGAATCCTTGAACAAGCTGCTTCTAGAGAGTCACTTGAAGAAGCTGGGGTCTTGCCAAAGTTGAGTC  
TCAACTTGGAAAATGGAGATTCATCAGTAAAAGCCAAGGCACATATTATGAAGGCTATATGTTCCCTTTATTTG  
TTGAAGAACAACCTTGACCTCTGGCCAGAAAAACATGTTAGAGAAAGAATATGGATGCCTGTAGCTGAAGCTA  
GAGAAGTGTGCAGACACTGGTGGATGAAGGAAGCTTACACATCTTAATTAAGAACTAACCATTGGAGAGC  
AAAATGATAATGATCTTCTAGCAACTGATGATCTGTGATTGAAAGCTCAGTCTTGTTTTTCTCCTTGTAATAT  
GGAGAGAAAAAATGATTCTGCAGGGTGGGGGAGTCATGTGAATAAAAGTTAATGGCTTGGTTGGATCTTTCC  
TTTTCTGAAATCTGATGTGCCATCAACTCATAGAAAGAACGAAACCATGTTTCATGATATCACCGAAAACTTGAT  
CTGGCACAAGCTGTTAGAAAATAAAAGAAGACAGAGACATGGGAAAGAAAAGTGAAAGGGAAAGGACAAT

GGGATAAAGGGAAAACTATAGCAGAAAATCAACTTGTACATGGTTGGGGCTGTTTCATGACTAATTGTGCCA  
TAGTTTCTTTTCTTTTGTGTTTATGTATCATCAATTTGAAAGAAAATACAAAATAGATATTATTGAAAGATATC  
ATCTGATCTAATCCACTTGCAACTTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAA  
ACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1394 EF051316|Gymnadenia conopsea histidine ammonia-lyase-like mRNA, complete  
sequence

AGTGGAGGGAAGAAGACGAGAGCGTCAATGGCTTCCTCATCCCTTCCCCTTCTTCCCCAACCATTTGCTCGGAT  
TCCATCCTCAACCTTTCAGTCCTCTCAAATTTCTTCTAATCTTCACAACAATATCCGATTGCTTCCGTCGTCGGC  
AAATCTCCAACCTTCTAAGTCTCCGCTCTTCTCCTCTTCTTCCACTTACTCTCCATTTCTTCGAAATCCATCGC  
ATTTGCCGCTCCATTTCCCTTCTCATGTGGCCCACTCCAGCGAATGCCGGATTTCTATCAGGATTCTCTGGAAT  
CGAATCGGTTCTGTCGGAATTGCCTCAAATCGACTTTCTCAATCGCTTCAATGAAGAAAATCAGAAGAAA  
TACGCGGAAGCTGATGCCAGATTCAAATCATCTCCACTGCTGAAGGAACTCTAGAGCGATCGAAGATGAACA  
AGGAAAAGAACCGTCAGAAAATTGTTGATAAATATTGCATCCGTGGTGCCGAATGGGGAGTCGGAGATTGCT  
CGGCAGAGGGAATGTCGCCGAGGAGAGGGACAAATTCATCTCGATGTTGAAGCAAAGGCTGGAGTGGAT  
TGATTGAACTGAAATATGAATGAATTTGTGCTGGGGATTGAGAGCAACCAGTTTTAATGTTGTTTTTTTTCAC  
ATTCATCACAAGGAAGGATTAGCAGAGAGAAGAAATTGAAGCAAAAAGAGGTCTCTACTATATACTCAGTGA  
TAAATCCTTTCATCATTGTGTTCAAAAAGGCTTACTTTTCAACACTTAAGCCTTCAATCTAATGCCCTTCT  
ATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTATAAACCCCC  
CCCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCCTTTCCCCCTTATGGGGGGTTATATCCCCCCCCCCCCGGGGCCCTTTT  
TTAACACCCCGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCATTTTACCCCTTGGCACCACCCCCCTTTCCCCCG  
GGGGGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1395 AY062446|Arabidopsis thaliana ATP-dependent RNA helicase-like protein  
(At3g58510; F14P22.100) mRNA, complete cds

CTGGATCTTCCACTATTTTGCAGCTTTTCAGATTGGCTGCAAGCTCGGCTGCTGAGAATGTAGCTGCTGGTT  
CTGCTAACAATTGTAGTGCTGGAAGTACTACAGCACCTGGCCGATCGGCTTATGTACCCCCACATCTGCGGAAT  
CGCACAGCCCCATCCGATCTGCCTGCTGCAGCAAATAGTGGGCCTGCTGTGGGTAATGATCGTTCTGGACATG  
CAGGGTCTCGCTGGGGTGGTGGTCCCCGGAACGATTATAATAATCGATCCGTTATAGTGGTGGTAGTCGTG  
GAGGAGGATGGGGGGGAAGTAGAGGAGGTGGATGGGATCGTGGGAGGGGGGATCGGGAAGTGAATCCAT  
TTGGAGATGAGGAGGATACAGAGGAAGCATTGGAGAGCAAGAAAATACCGGTATTAATTTTATGCTTATG  
AAGATATTCTGTGAAACAAGTGACTAGTGCATGGGACTAACGTGTACGTTTTTAAATTATTTACAGTGTGTTA  
GGTGATGGGTAGAGGAACCAATTCTGCCTGAATAGAGTATTGTTTTTTTTTTTTTTCTTTTCTTTCGACTA  
TTGGTGTTAAAAAGTGATTATTGTCAAACTTATTGTCATTATGGGGGAAAGGAGAAAACGTTGTCCATTTT  
GGGGCCCATTAGGAATGTAGAGTTGTGTGCAGTGTTTCTTTAGGTGTTGGTTAAATGGTACTAACAAAGTAG  
GATCACTTTGTTCTTTTGTCTCATATCAGGTCGGAATATGGTGAATTGGTGGTTGAAGAGATCTCAGG  
GCTTTACTGTTCCGCCGCTTTTGTGTTTTCCATCAATTAGGTCAAGTTCCTTTAAACCCAGTTTGCTTGCTAGG  
CTATTCCTCGAGCTTCTTGGGCCATCTTCTTCTCCCCATCCTGAAGAATTCATAGTTATTGTAATATTTGTTG  
TTGACCCCAAATAAATTTGAAACCTTTTGTAGGGCATTATGAGTTCAGAACGTAAAAACCGGTTTGTGGG  
TTAAATTTTCATCACATTACAGCAAAAATGTACACATTTTACTCATTTTAGCTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1396 NM\_121356|Arabidopsis thaliana KEG (KEEP ON GOING); protein binding / protein  
kinase/ ubiquitin-protein ligase (KEG) mRNA, complete cds

TAGGACAGATGGTTCAGGTTAAATCATCCATAAGTCAGCCAAGATTTGGTTGGTCAGTGCACAGTAGTGCTAG  
TGTTGGAATGATATCAGCTATTGATGGAGATGGAAAGCTCAAGGTATATACTGCAGCTGGATCTAAAGCTTGG  
ATGCTAGATCCGGCTGAAGTAGAGTCTGTACAAGAAGAGGAATTTTCATGTCAGAGACTGGGTTCGAGTTAAG  
GCTTCTGTTTTGACACCGACCTATCAATGGGGAGATGTGAATCATTTCGAGCATTGGGGTGGTTCATCGCAAGG  
AAAATGGGGAGCTTTTCGTTTCATTCTGCTTCATGGAGAAGAAGCTGTGGCTATGCAAGGCATGGGAAATGG  
AACGGGTGAGACAATTCAGAATTGGAGACAAAGTGAGGATTAGAGAAGGGCTTGTTCACCCCGTTGGGGA  
TGGGGGTATGGAGACTTATGCAAGTAAAGGCCAAGTGGTTGGAGTTGACGCAAATGGGAAGTTGCGGATTA  
AGTTTCGATGGAGAGAGGGTAAGCCGTGGATCGGAGATCCTGCAGATATTGTTCTTGATGGGAATACTGA  
TGAGGAGACTTCGCCATACCCTTGGTGCCATATGTTATCGATCTTAAGGTGGCTTTTGAGCCTAATGGCTTCAA  
CTCCTTTAGCTCTGTTTTTGCTGCCAAAGCAAAGCCATTCCATCATCACAATACTGTGCATAAGAGAACGC  
CCTGGTAATATGAATATAAGTTGCATGGCACCACAGACGGATTTATTATCGTTAATAACCCAGGATGTAGGGT  
GGACAAGTAGAGAAGAAGCCTGAAGGGAAGGCATGTAAGTACTTACCTTATAATCATAGATAACACAAGGA  
GAGGTATGCGGATAGGTGAGATTTGCTACACCTATCTACCCCTTGCTCATAAACAATATATATAGCAGCAGG  
TTTTCTTACCGAGTTCCCAGGTAAATATATATATATGTATAACGCTTGATTGGTATCATCATTGTACAAATTGAA  
CACTAATATTTTTAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1397 NM\_001062006|Oryza sativa Japonica Group Os05g0398000 (Os05g0398000)  
mRNA, partial cds

CCTCTAAATCCAAAAGTTTGAGCAAAAAAGCAAAAGGGGGAAGGAACATGGAAGGTAGAGCACATAACAA  
GCTTCATTACAATTTCTTAATCCTTCTTCTTCATCTCATTAGATTCTTCTCCTTCCCCCTTTTGCCTCTAATG  
TAGCTCAAACAACCATCCCATTTACTGTCTCCATTATTATCCCTCTTCTATTGGAGATGGCAGCTTCAGAACT  
CGAAGTCGAAGATGTTTGCTCGGATATCTACGTTAACCTGGGCCTTAAGTCATTGCACAAAGGAATCCGGAAA  
AATCCTCGGGTCTTACGCTTCTTCTTCACTTCTAGAAAGATCTGTCAAAAAAATGAATTACTAATGGAGGC  
CACACAAGTCAAAGATGCTCGCACAATGTTTCATGGTCTACGAGCTCCTACCCTGAGTATTCGATGTTACATGG  
ACCGCATCTTCAAGTATTTTGGCTGCAGTCCATCATGCTTTGTCATTGCTAATATTTATGTGCATCGATTCTCA  
AGTGACACAGAGATTAGTTAACTTCCCTCAACGTTTCATCGACTGCTGATAACGAGCATAATGCTGGCTGCAAA  
GTTTCATTGACGACTCGTTCTTCAACAATGCCTATTATGCGAAAGTTGGGGGAGTAAGCACGGCGGAGTTAAAC  
AACTGGAGATGAAGTTTTTGTAGTATCGACTTTAGACTTCAGGTGAATATACAGACATTCGGTCGATACTG  
TTATCAGTTGGAAAAAGAAGGCACCGAAACACGTCAGATTGAACGGTCGATTGAGCCTGTAGGATTAAGGA  
GAGCTGGTCAAATAAAGATGAGAAATCTGTGCTTCCACAACAGCCAGATGATTTTTTTACCACAAACCACTGT  
ATGTAAATCATATATGATTCATTTAGAAAGTTTGATTGTTGATAAAGTTGGCCATTTTTTCCGATGGATTTTC  
TTTTTAAAAATTTCATTTTCTTGACTTTGTCTTCATGTAAGCATCGGTGAGAGTTTCATGGGAGAAGTAGAAG  
AACACCTGTTTGAAAAATATATTCTTTCTATATAAATTGAATGGGCAATTAGTGTGAACACTCAGTCCATTGT  
TCTTCTGTTTGC

>trans\_c\_1398 NM\_001070482|Oryza sativa Japonica Group Os09g0565400 (Os09g0565400)  
mRNA, complete cds

AGTTGCCCAGTTGCTCAAGGAGAAAGAGCATATTGGATATTTGCTAAGGACTGCATTATCTAAGAGAATGACA  
TCTGATCCATCCTCAAAAGCTAATCAATTATTTGAAGTAGCTGAGAATGGTTTAAGAGAGGCTGGGATTGATT  
TCAAATTCAGCAAGCTTCTTGAGAGGAGAAATTTCTACTACAAGGGACAATAGGAAAGCACTAGATGCAG  
AGGATGAAATATTCACCCTGGCTGGTGCTCTGGAGAATATTGTGAAGGCATCTCAGATTGAGATCATTGAGCT  
ACGACATTCAGTGGAGGAGTTAAGGGCAGAGTCAGTTGTACTTAAAGAGCGCCTAGAATCCCAATCCAAGGA  
GCTTAACTTAGATCATTACAAATTCAGGAACTGAAGAAAAGGAGAGAGTTGCCAATGAAAGTGTGAAGG

GTTAATGATGGATGTCACAGCTGCGGAAGAAGAAATCATGAGATGGAAGGTAGCTGCAGAGCAAGAAGCTG  
CTGCTGGCAAAGCTGTTGAGCAAGAGTTTCTGGCACAGATCTCAGGTGTTAAACAGGAACTTGAAGAAGCGA  
GACAGGTGATATTGGATTGAGATAAAAACTTAAATTTAAAGAAGAGACGGTAAATGCTGCCATGGCAGCCA  
GAGATGCAGCTGAGAAATCATTGAGACTAGCAGACGTGAGAGCGTCTAGGTGAAGGAAAGAGGGGGGAAG  
AGCTTACCAGGCAGCTTGAACAGCTCGATAACCGAGAAGAATCGAGAAGAGGAAGTTCAAATGGTCATAGAT  
ATGTTTGTGGCCATGGCAATGGCTTGGACTTGATTTTGTGGTTCTCGGCACTCTGAAACACAGCACCAAGA  
GAGTTCAAACGAGATGGAACCTCTCTGAGCCGCTTCTCTGAGATTTTTTTCTTTTTCTTTTGTATTTAT  
TGTGAAAATGAAATATTAGAAGATTTATAGAAAAAATACATAAAGTAGATTTGTTCTTATTGAATGCTCCGGG  
GTGATCGATTGTTTTCTGATAAACAGTTGCTTTGAGCAAAGTGAATATATTTAAATGTTATTCTTTCTTGT  
GTTTGAIAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1399 HQ258891|Wolffia arrhiza F1-ATP synthase delta subunit mRNA, complete cds

GCAIAAAAAAAAAAAATTCTCCGCTTCGTGGTTCTGTCTCATTAGCTGTTGCTTCAGTCCTTCGTCTATTAGAA  
AAACTAGGGTTTACTTTTTCTTTTCGTGAAATGGCTATGGCTGGGCGTATGAGATCGATCATTCTCAATTCAA  
TCAGCTTCTGAAATCGGAGTCACAGACTCAGAGATCTGCTCTTACAAGAGCCCTACTTTGCCCCACGACTGCCA  
ACTCCGAGATCTCGAGGAATATGCAACTTCTTCCAAGAAAACCGAGGCAAAAGTTAAAGTTCCTGTGGCTTT  
GTTTGGGGGGACTGGAACTATGCCTCTGCTTTGTACATTGCAGCAGTAAAGCTAATTGCTTGATAAGGCT  
GAGACAGAGCTTCTAGACTTTACCGAGGCTTCAAAGAGAAGTACCACCTTCTCTGAGTTCATAAATGATCCCA  
CAGTGCGTAAAGATACCAGGATCAAGGTTATTAACGATGTTTGTGCCGAAGCTAAGTTTTAGAAATTACGAA  
CACTTTTTGGCTCTATTGGCTGAGAATGGAAGGCTGAAATACGTAGACAGCATTTCAAAGAAGTTTCAAGAG  
TTGACAATGGCTCATAGAGGAGAGGTGAAAGCCATTGTGACTACTGTTATTCCCCTCCCTGCTGAAGAAGAGA  
AAGAACTGAAGGAGACTCTACAGGATATTATTGGAGAGGGGAAAAAGGTCAAGCTTGAACAGAAGATTGAT  
CCAAGTATTCTTGGCGGAATAGTAGTAGAATTTGGGGAGAAAGTGTGACATGTGCGATTAAGAGCAGAGCA  
CAACAGATGGAGCGGTTCTTGCAGAACCTGCAAACTTCGACAGCCTCTGAAAAGGGTAGTTTTACATTATG  
GGGATACCTTCTTCTGCTTTGAGCTCTACCATTTTTCAACCATGAAAAGAGAACTTTGGTGTTTTCTTCTCC  
CCTTTTTTTGCTTTACATGACGGGCGGCAATGCCTCTCTTCTATGTATGCCAATAAGAAGTTGATTTTTCTTC  
ATAACTATATCCATGTTGGACAATTTAAATTTGATGAATATGTACAGCAGTCACATTGGAGGAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1400 AF096249|Lycopersicon esculentum ethylene-responsive small GTP-binding protein (ER43) mRNA, complete cds

ACGGGTGATGAGCCGCTCAATTTTTCTTCTTTTTCGCTAAATCGGTAAACTGACCCACGAATCACTGTGCG  
ATCTCTCTCAATTTCCACGCGCCACTTCACGCGCCTCACGGTGACTCGTTTCCACCTCTTCTCCCATTTCTCT  
GACTTGGAATCGGTTATTTCTGAAGACGGTTGTTTTGTTTTCTGATTGATTGCAATTGTTATGGCTGC  
TCCACCTGCAAGAGCTCGGGCGGATTATGATTATCTATAAAGCTTCTTTAATCGGCGATAGCGGTGTGGT  
AAGAGTTGCCTTCTTACGTTTCTCTGATGGTTCCTTACCAGTAGTTTTATTACTACCATTTGGTATTGATTTA  
AAATCAGAACCATTGAGCTTGATGGAAAACGGATCAAGCTTCAAATTTGGGATACTGCTGGGCAAGAGCGCT  
TCCGTACAATCACCACAGCTTACTACCGTGGAGCAATGGGCATTTTGCTGGTCTATGATGTAAGTGAATCA  
TCTTTCAACAATATTAGAAATTGGATTGTAATATCGAACCAATGCTTCTGATAATGTCAACAAGATATTGGT  
TGAAACAAGGCCGACATGGATGAAAGCAAAAGGGCTGTGCCTACATCAAAGGACAGGCACTTGCCGATG  
AGTATGGGATCAAATCTTTGAACTAGTGCAAAGACCAATCTTAATGTGGAAGAAGTTTTCTTCTCGATAGCA  
AGGGATATCAAGCAACGTCTTGCTGATACTGATTCAAAAGCCGAGCCTTCGACGATCAAGATCAATCAACAAG  
ACCAGGGAGCCAATGCTGGTCAGGCTGCGCAAAAATCAGCTTGTTGTGGCTCTTAAGATGATCAAACCTTTG  
AAGTAGTAATCATGTTGAAGTCATACTTCATTGATCAAGTTATTTGTAATCTTTGAACTTCATTTAGTGTGT

AATAGATAGATAGGCACTTTCATGTTTTAGAATTCATTTGTGATCATGTCTATATTATAAAGATATTTATTTGT  
TTTCTTTTTTGGCTTTTCAGAAACGATGATGTCCCAATTATTTGTTTGCTANTAGATGGTTTGTATATAAAGCAA  
CTATTTTAC

>trans\_c\_1401 XM\_002878022|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata prenylated rab acceptor family  
protein, mRNA

GGTCTCCATACGAACGAACTATTAAATCCCTTTGAAACCCCATTTGTGTAAATATCAAATCGCACCGCCAGATCT  
CACTCTCCACATCCATGGCTTCTCCACCGACACTTCCGATCTCTGGCCCTCAATCCGCTACCGGAGCTCCGTCTC  
AGCCACCCATCGCCACTCCTGCCTTCCGCGCATTTCTCTCTCGTCTAACCTCCTCCGTCGCCAAGGTTTCTCCC  
ACCGACGCCCATGGTCGGAGCTCGTCGACCGGAGTTCGATGGCTCGTCCGGACAATCTTTCAGAAGCCTATTC  
CCGGATCCGCAAGAACTTCTCGTACTTTCTGTCAATTACATCACTCTCTTTGCCCTTGTTCTTGGTTTTCTCTT  
CTCTCCCACCTTTTTCTCTTGACTCTTCTTCACTCCTCGCGGCTTGGTGTTTTCTCTACATTTTCCGTCTTCC  
GATCAGCCGTTGGTTATTCGTGGCCGTAATTTCTGATTTGCAAACGTTGGTTGGGCTGGGGGTTCTTACTGT  
CATTGTGGTGTTCTCACTAGTGTGGATCGCTCCTGATTTGCGCGTCGATGATTGGATTGGCATTGTGTGCA  
TTCATGGTGCGTTTAGGGTTCAGAGGATCTCTTCTTGACGATCAAGAGCCTGTAAATGGAGGATTCTGTCTC  
GTTTCTTGGTGGCGCCGCTCCGCTGCTTCAGCCGCAGGTCCTGCAATTGCAGCGCGTGTATAGCCAGATCA  
TGATCGGCGCCTGATGAACGAACGGATGGCAGTTTGATTATGGGTTAGGCTTACCTGTTGACTCTTTCTGCA  
GTTTGAATTCCTGTGATCCATAAGAAGTGGATTAGGGTTTGTCTCTCATAATGTGCTGAAAATTTATGTCAA  
TTTTTGTAGTTGCGCTATATACAACAATATTATGAATTGTAGACTCTATTACTTAGGGCGATTATTACGCAA  
TTCTTTAATATAGCCTCTTATTTCTTTAGATAACGCTTGAACCTCATTGTCATGTACTTTGCTACTATGTTTAT  
GTTTAATTGGAGATCTTGTTTACTTCTAATGGAATTTTGAAGTGTGTCAATTGGTTGACCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1402 NM\_148206|Arabidopsis thaliana catalytic/ protein serine/threonine phosphatase  
(AT4G03415) mRNA, complete cds

AGAGGACTCACAGAATTCGGTATGGAAAGATGCATTTTTGAACTCGTATAAAGCTATGGATAAGGAGTTGAG  
ATCACATCCTAATCTGGACTGCTTTTGTAGTGGTAGTACTGCAGTACCATAGTTAAACAGGGGTCAAATCTCT  
TCATGGGGTATATTGGGGATTCAAGAGCAATCCTCGCTTCGAAGGACGCCAATGATTCCACTGTGGCAGTTCA  
ATTAACCGTGGATCTTAAGCCAGATTGCGGAGAGAAGCTGAAAGAATAAAACGGTGTAAAGGCAGGGTCTT  
TGCATTGCAGGATGAGCCAGAAGTGCCAAGGGTGTGGTTACCTTTTGATGATGCCCCGGTTTAGCAATGGCT  
CGAGCATTTGGTGACTTTTGTGTTGAAAGAATATGGGGTTATCTCTATACCTGAATTCTCTCATCGAACCTAACC  
GATGCTGATCAGTTCATCGTTCTTGCATCAGATGGGGTGTGGGATGTGTTGAGCAATGAAGAGGTGGTTGAC  
ATAGTATCCTCAGCCCCAACCCGGGCATCAGCTGCGAGGTCCTGGTGGACTCAGCTGCTCGTGAATGGAAA  
CTCAAATACCCTACCTCGAAAATGGATGACTGTGCAGTCGTCTGCTTATTTTGGATAGGAGGATGGACTCCG  
AATCTGACTGTGATGAACAAGCCTTCTCGTCTGCAACATTGCGTAGTAATCATTGGGTACAGCTATTGAATCC  
GATGATGGCCAAAGGTCTGAGCCATGTTTGCAAAGGAATAACACTGTCAGATCATCTGAAGAAAACAAGGGA  
TTACCTGTTGACGACGGGGAAATTGGCGATGCTGTACCTGCAGAAGATCAAACTGGTTGGGTTTGAAGGA  
GTCACTCGAGTGAACCTCACTTGTTCAGCTTCCTAGATTTTCCGAGAAAAGGCCTGTGTATAGGTTTTATAAAA  
TTCTAGGATTGTGAATTCAAAATGGAAAGATAAATCTTCAAACCTGGCTACTGGTTTAAAGGTTTGTGTAGGTA  
CATTTTGCCACCAAGTGTATCTTGAATTGCACAAAAGTTTAACTGTTTTATACATCAACTACTTCAAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1403 FJ442191|Solanum lycopersicum stress-associated protein 5 (SAP5) gene, complete  
cds



GCTTTTCTCTCCACCTTCGAAACCCCAATTGCCCTTCTGATCGTTTGTAGGTGGAAGGAGGGGAGCGAAGAAT  
CGTCATCTCGCTGGGAATTTTATGGTGTCTTTTCTATTAACATCGATTACGCAGCGGTGCAATAGAGCTTTCCC  
TCCTACACCCACCAACGAACAGGTGAATAATGGAGCATAAAGAGACAGGATGCCAAGCTCCTCCAGAAGCTC  
CCAACTTTGTGCTAACAACGTGGATTTTTCGGAAGTGCTGCAACTATGAACATGTGTTCAAAATGCCACAAA  
GACTTCATCATGAAGCAAGAACAGGCCAAGCTTGCAAGCATCTCGTTTGGTAACATCGTGAATTGTGGACCCA  
ATGACCATGGCAAGAATGCTGTTGTCACTTCTCCAATAAGCTAGAAATCGAACCAGCTGAATCATCCATCATT  
CCAACCAAGCAACTTGTACTTCATCAAATGCAAGCAGCACCGTAGAGAAGGTGAAAGAAAGCCCAAATAGG  
TGCAGCAGCTGCAGAAAGCGCGTTGGTCTAACAGGGTTAACTGCCGATGTGGAAGCCTCTTCTGTGCAGTCC  
ATCGCTACTCTGATAAACACAACCTGCTCTTTTGATTACCAGGCCGTTGGTCGGGAGGCAATTGCAAAAGCCAA  
CCCTGTAGTGAAGGCTGAAAAGCTGGACAAGATATGATAGACGAGACCGGCTGACCGAAAGACAAAACGAG  
GTGCAGCACCAAACCTATGTTTCTTCTGTGTTGAATGAAATCTATGATATTTTCTTGTTGATGTTTTTTTTG  
GTGAAAAGGGGGTTGTGTGCAAAGGTTTGTGAGACATGTCTGTCTGTTACTTGGAGGAGCATAATGTTGTGA  
GACAATCCCGCTGGAGAAACGGCATCGAGTGTGACAAGTGTGATTGTAGGTTTTGTTGTAAACAGTCAGTT  
GTATGGATGGATTATGCTATGTTTAAATTTCTGCTGGTTGATTTTGTCTCTCTTGGTGTGTTGTGCTTAAATTAT  
GGTAATATTGAGTGATGAATTTTCTTTTGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1404 NM\_118980|Arabidopsis thaliana AAC3 (ADP/ATP CARRIER 3); ATP:ADP antiporter/  
binding (AAC3) mRNA, complete cds

CATTTGCGGAGGCACCCACTTGGTGATCTCACCATTCTGTCTCTTTCACACTCACCGGCCTTTACAGGTCCCCA  
TCTGAGTCTCTACGATGGAAGATTCCTCACACCAGTCATCGGTGTTTCAGAAGATATGTGGCCATTCTTACCTC  
ACTTCTAGACTCTCCCCTGACCTTCACTCCACACGGCTGACCGGTGTATTTGCTAATGGTGTGTTTGGAGAATCC  
CTTGAAGACAGCTTATCATGGGACTGGCTTGGTTGGAGTCTCACCCACTTCTCCTTTCTGGTACAAGCTCCTTC  
TGAGAAAGGTGCAGCTGGCTTTGCCGTGGATTTTCTTATGGGAGGAGTATCTGCTGCTGTTTCTAAAACAGCT  
GCTGCTCCAATTGAGTGTGTCAAATTGCTGATCCAAAATCAGGATGAGATGCTTAAGACTGGTAGGCTATCTG  
AGCCATACAAAGGAATCACCGACTGCTTTGCCCGAACAATTAAAGATGAAGGAGTCATATCTCTATGGAGGG  
GAAATACTGCAAATGTTATCAGATACTTCCCCACACAAGCTTTGAATTTGCCTTCAAGGATTACTTCAAGAGG  
CTGTTCAACTTCAAGAAAGACAGAGATGGTTACTGGAAATGGTTTGCTGGGAATTTGGCCTCTGGTGGTGCTG  
CTGGTGCTTCATCTCTTTTATTCGTTTATTCCCTTGATTATGCTAGAACTCGTCTGGCCAATGATGCTAAGGCTG  
CTAAAAAGGGTGGCGAGAGGCAGTTTAATGGTCTTGTTGACGTTTACAAGAAAACCTTAAATCCGATGGCAT  
TGCTGGGCTGTATCGTGGATTTAACATCTCTTGTTGGAATTATTGTGTACCGTGGTCTTTACTTTGGAATGT  
ATGATTCAATGAAGCCCGTAGTTTTGGTTGGCGATTTGCAGGATAGTTTCCTTGCTAGTTTCTTGCTTGTTGG  
TGTATCACGATAGGAGCTGGTTTGGCTTCTTACCCAATCGATACTGTTTCGAGAAGAATGATGATGACCTCAG  
GCGAAGCAGTCAAATATAATAGCTCATTGGATGCATTCAAACAGATCGTTAAGAATGAGGGAACCAAATCTCT  
CTTCAAGGGTGCTGGG

>trans\_c\_1405 NM\_101113|Arabidopsis thaliana CLP2 (CLP PROTEASE PROTEOLYTIC SUBUNIT 2);  
serine-type endopeptidase (CLP2) mRNA, complete cds

GCGTTGGCCGCTGTGTCATCTTCTCGGAATTAGACCCAAAACGGTCTAAGCTCTTCTGCATTGAGAGTTCTGT  
AATCGACTGGGAATGGCAGTCTCTTCTACTCCTTGTTTCAACCTCAAATCAAAGTTTCTCAGCCTTCTCTCAGC  
TTTACAACCAAGGTTTACTCGGGATTAAAGCCTCAATCAGCTAGTCCATTGCGAGGAGTAAAACCTAATATTAC  
TGCTGAATTCTATGGAAAAGTTCATAAAAGTTTGCAGGCCAGGACACATAACAAAAAGGCTGCTCGTGACAA  
TTTCAGATGATGCCTATAGGGACACCAAGGGTGCCTTACAGAAATCCTGGGGAGGGAAGTTGGCAATGGGTT  
GATTTGTGGAATGCACTATATCGAGAACGAGTTATCTTCATTGGGCAAAACATTGATGAAGAGTTTAGCAATC

AAATTTTGGCAACAATGCTATATCTTGACAGCATTGAACTTCCAGGAAATTTTATATGTACATAAATGGCCCA  
GGTGGAGATCTAACTCCAACCATGGCCCTCTACGATACAATGCAGAGCTTGAATAGTCCTGTAGCTACACATT  
GTGTGGGTTATGCCTATAATATGGCAGCCTTTCTTCTAGCAGCTGGAGAAAAGGGTAACCGCTTTGCTATGCC  
ACTATCAAGAATTGCTTTGCAATCCCCAGCCGGATCGGCTCGTGGCCAGGCTGATGATATTCAAATGAAGCA  
AACGAGCTCTTGAGAATCAGGGATTATCTTTTTGAGGAGCTTTCTAAGAAAACAGGCCAGCCTGTTGAAAAGA  
TTAGCAAGGACTTGAGTCGATTGAAGCCATTTAATGCGCAAGAAGCTCTTGATTATGGACTTATTGACCGTAT  
AGCTAGGCCACCGCGCATTAAAGGCTGATGCACCTCGTAAGGATGCTGGAACAGGGGCTTGGTTAGAGTTAAGT  
AAATCCTTCACATGTTTATTTTATAGGTTACATGAAGCACACAATAATTAAGTAAAATTTATTTATGAAAATTC  
GTATCTTGTTTTGATCCATTATATTTAAATGGAAGTTCTGTTTGAAATATTATGTTTGTTACAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1406 AY104396|Zea mays PCO098475 mRNA sequence

AAATCACAGCAACAATAATTATTTCTATATTTGATTAAGATTGGTTATAGATTTTGTCTATAAATGTGGGGTTTA  
CAGTTTATTTTGTAATTAGGTTTCAATTGGGATCTTTTGACACAGCGGTTGTGAATTTCTTCTCATCTTCATT  
CTTCAACCTTTTCATGGCGACCAGGCTTATGTTTGAAAACCTCATGTGAAATTGGAGTTTTCTCCAAGCTCACCA  
ATTCTGACTGTCTGGTTGCAATTGGTGGTTCTGAAGATTTCTATAGTACCTTTGAAGCTGAATTAGGTGCTGTC  
ATTCCCGTGGTTAAACATCTATTATGCACTCGCATTATTGGTCGTCTATGTGCTGGAATAAAAAATGGGCT  
TCTTCTACCACACACCACTACTGACCAAGAACTCCAGCACTTGAGGAACAGCCTACCTGACCAAGTTGTTGTTT  
AACGTATACAAGAGAGATTGTCTGCTTTGGGGAATACAATTGCTTGTGAATGATCATGTCGCTCTCACACATACT  
GATCTTGATCGGGAAACTGAAGATCTCATTGCTGATGTTCTTGAGATTGAGGTCTTTAGGCAAACAATAGCAG  
GCAACGACCTCGTGGGAAGCTACTGTAGCTTTACAAACAGGGGTGGCTTGGTTTCATCCACATACATCCATTGA  
AGATCTAGATGAGTTATCAACTCTTCTCAGGTCCATTAGTCGCTGGAAGTGTGAATCGTGGAAGTGCGGTG  
ATTGCTGCTGGGTTGACAGCAAATGATTGGACTGCATTTTGTTGTTTCAGACACCAGCGCCACTGAGTTATCGG  
TCATCGAGAGTGTTTTCAAATTGAGGGAGGCTCAACCAAGTTCATTGTTGAAGAAATGAGGAAGTCACTAAT  
AGACAGTTACGTATGAGGAGGAGGAGTCTTCTACTACACCTAAGATCTTGCAAGCAATTAATTGTTATTACT  
CTTGTGTCTGTATCCTTCAGTTTTATTTAACCAATTGTGAGTAAAAAGTCGACTCTGCACTTATAGTGTTTTG  
GTCGAAATTGTGGTCCATATTTGCTAATATAGATCTGTTTTGTGAATGGTTAACCAATATTTTACTTGATATCC  
CCTTCCGTTTC

>trans\_c\_1407 AF061638|Arabidopsis thaliana branched-chain alpha-keto acid decarboxylase E1  
beta subunit (BCDH beta1) mRNA, complete cds

AAATCGATCATTTCTTCCAAAATGGCATCTGTGCTGAGGAGATCGCAAACAGTGCTGAATTCCCTTTGTAGGA  
GGCAATTTTCTGCTTCTCCAGATGGAAATCTTACAACCCATGCTGGAAAATCTATGAATCTTTATTCTGCTATTA  
ACCAAGCACTTCATATTGCCCTTGAACTGATCCTCGTGCTTATGTGTTTGGAGAAGATGTGGGCTTTGGTGG  
GGTCTTCCGGTGCACACTGGACTGGCAGATCGATATGGGAAAGATCGAGTTTTCAATACCCCTCTTTGTGAG  
CAGGGTATTGTTGGCTTTGGCATTGGTCTGGCGGCAATGGGAAATAGAGCCATAGCAGAAATTCAGTTTGCA  
GATTACATATATCCAGCTTTTGATCAGATTGTTAATGAAGCTGCAAAGTTCAGATATCGTAGTGGAATCAGTT  
CAATTGTGGTGGTTTAAACAATTAGAGCACCATATGGAGCTGTTGGCCATGGTGGTCATTATCACTCACAATCTC  
CTGAAGCTTTCTTTGTATGTTCTGGTATCAAAGTCGTCATCCCTCGAAGCCCATACCAAGCCAAAGGATTG  
CTACTTTCATGCATTCTGATGAAAACCCAGTTATATTTTTTGAGCCCAAGTGGCTTTACCGTTTGGCAGTTGA  
AGAAGTTCGGGAGGATGACTTCATGTTGCCTCTATACAAGCAGAGGTGATCCGAGAAGGCAGCGATATTAC  
ATTGGTTGGTTGGGGAGCGCAGCTCTCTGTTATGGAACAAGCCTGTGTTGATGCTGAAAAAGAAGGAATCTC  
CTGTGAACTTATAGACCTGAGAACTCTATTACCTTGGGATAAGGAAACGGTGGAGGCCCTCAGTTAGGAAGAC  
TGGAAGACTTCTATTAGCCATGAAGCTCCGGTTACTGGAGGCTTTGGTGTGAAATATCCGCTTCATTGTTG

AGCGCCGCTTCTTAAGGTTGGAGGCCCTATTTCTAGAGTTTGTGGATTGGACACTCCCTTCCCTCTTGTTT  
GAACCTTTCTACATGCCTACAAAGAACAAAATATTAGATGCCATTAAAGCAACTGTAAAGTATTAGCATTATAA  
CCAAAACCAAGCTAGACATG

>trans\_c\_1408 NM\_119911|Arabidopsis thaliana hydrolase, alpha/beta fold family protein  
(AT4G37470) mRNA, complete cds

TCCTCCACCCGAATAAATAACAACAACCCATAAACAAAACACAAAGTCAGAAAAACGCAACTCTTCTCTTCC  
CTTCTAAAATCAAAGCATGGGAATCGCGGAGGAAGCCCAGAATGTGAAGGTAATAGGCGGCGGACACCAGA  
CGGTCGTTCTAGGGCACGGATTCCGAACAGATCAATCGGTGTGGAAACACCTAATTCCACATCTAGTTGATGA  
TTACAAGGTAATTTGTACGATAACATGGGTGCTGGAACCTACTAATCCTGATTATTTGATTTGAGCGGTACA  
GAACTCTTGAAGGCTTTGCTTATGATCTTCTCGCCATTTTGAAGAAGTTCGTGTTGATTCTGTGTTTTTGTG  
GTCACTCTGTTTCTGCCATGATTGTGAATTTGCTTCCATTACTCGCCCTGATCTCTCCAGAAGATCATTATGCT  
CTCACCTTCTCCGAGGTACTTGAACGATGAAAAGTATTTTGGAGGCTTTGAGCAAGAAGATCTAGAGCAATTA  
TTCCAAGCAATGCAGTCAAATTACAAGGCTTGGTGCTCCGGCTTTGCCCCGCTAGCTGTTGGTGGCGATATGG  
ACTCCGTCGCAGTTCAAGAGTTTAGTCGAACCCTGTTCAATATGCGTCCAGACATAGCGTTGAGCGTGGCGCA  
GACCATCTTCAAAGTGACATGAGAAACATACTCAGCTTCGTTACCGTCCCTTGTCACATCATCAAAGTATGA  
AGGACATGGCGTTCCAGTGGTCGTTTCAGAGTACCTCCACCGCAACCTCGGTGGCGACTCCATTGTTGAAGT  
CATGGAGTCAGACGGGCACTTGCCTCAGCTAAGCTCGCCTAATATTGTGATTCCGGTGCTTCTTAAGCACATTA  
AGTACGACATAGCAACCTAGTTTTGTTGATGTGAAGTGTGTATATATTATGTTTTTATTTCTTTCATCCATGATT  
GTTAGGAATGGATGTTTGGGAACTTTACTCCATGTCACTTCCTTCTTATGCCAATAATGTAATTGTGTTCCGGG  
ACTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1409 NM\_001062022|Oryza sativa Japonica Group Os05g0401200 (Os05g0401200)  
mRNA, complete cds

AAAGTACAGAAGTAATTCAGGATCATGGGCTGCACTCTCTTTCTTCTCCACGATTTCTCTCTTCCCAATTAAA  
GAAGTGGATGGTTCTCTGAGGAATTTGAGAAGCTCATTTTTTGGTGCCCATATAATGTATAATAAAGTCTTCT  
AAGAAGAAACATGAAATGTTGCAGTGAAGCTTCTCTTGGTGGCCTCATTGTTTGAAAGAGAGTCAAGGG  
CCGAGAGACCGTAATACCTGATCCAGATTACAGAATTCGGATAGTCTTACTTGGTGCTGCTGGCGGGTTAACT  
TATACTGATAATTTGCTAGCAGCTGTACCTATTGGTCTTCTTGGGCTCCTGCTACTGGTCCAGGCTACTCGAGT  
GAGATTTGTCTTTAACAATGAAGCATTGGAGGTAAAAATAGGAGACGAGCTTGTGGACTCTGGTGAAAATGC  
TTTTGTGGGTGGAAAGAATCGTTGAAATATTCACTTTGTGAAGTGGGAGTTATGGTGGCCAAGTTTTCCC  
ATTCTAGTGTACTTCAAAGAACTCAAACAAAGCCAGAAGGCCAAGTGCATTCTTCCAGTAATATTTAATGG  
AAAGCAACTGTACGATGTCATGGTGGAAAGAGCTGGCCCTTCCAAAACGAGTGGACCAAAGAATCCTAAAG  
AACTTACGTTTTTTCAACAACTTGATCAGGAAATCTATGGGCGTGGTTCATGATAAGTTGAATTTACATCAAG  
ATTCTTCTCCATATACAGAATTAATAGACCAGATTTTGGGGCCGATTTAGTAGCAGCCAAACATTAGAGTGCCA  
CCATATAAGAAAATTGATATTACGCGTATGCAGTAAGAGATACATTCATACTGTGAGAATTGAATCTCTTTATA  
TGTAATTACACCAGATCAAATGCTAGGCTTAAATCGTTTTGTATTCTCATAACTACAACGGGAGCATGTAGGG  
GAAAGGCAAAAATAAATCAACAATCTTGATTTATTTAGTTTGGAGCGATGATTGAAATATTTGTCAATATGTT  
CCCACCTCCAATGTAGTACAATAAATAACAACATTGGTTACCATTCAAGTGGTTTCAATTATCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1410 AB168112|Pisum sativum sir mRNA for sulfite reductase, complete cds

GGAGGCATGGGAAGAACTCATAGAGTTGATACCACTTCCCTCGATTGGGGGAGCCATTAGGCTACGTTCCA  
AAGGAAGATATTTTATATGCAGTTAAAGCTATTGTAGTTACACAACGTGAAAATGGTAGAAGAGATGATCGCA  
AATATAGTAGACTAAAATATCTGATCGGTTCTGGGGGATTGAAAAATTTAGGAGTGTTGTAGAGCAATATTA  
TGGAAGAAATTTGAACCTTTTCGCGAATTACCAGAGTGGAAGTTTGAAAGTTACTTGGGGTGGCATGAACA  
GGGGGATGGTCACTTATATTGTGGACTACATGTTGATAGTGGTCGATTGCTGGGAAAATGAAAAAGACTTTA  
AGAGAGGTGATAGAGAAATATAATTTGGATGTTTCGGATTACCCCAAATCAAACATTATCCTGACCAACATTC  
GCAGTGCGTGGAAGCGACCCATTTCCACAGTTCTTGCACAAAGTGGCCTGCTGCACCCAAGGTTTGTAGATCC  
CCTTAACATAACTGCGATGGCATGTCCAGCTATGCCACTTTGTCCTTTGGCAATAACAGAAGCTGAGAGAGGA  
ATTCAGATATCCTTAAGCGAGTTCGAGCTGTATTTGAAAAGGTTGGTCTGAAGTACAGTGAATCTGTTGTCAT  
AAGGATAACTGGTTGCCCAAATGGTTGTGCCCGCCTTATATGGCTGAACTTGGATTGGTAGGCGATGGTCCT  
AACAGCTACCAGATATGGCTTGGGGGAACACCCAATCAAACGTCACTGGCAAGGACTTTTATGGATAAGGTT  
AAGATCCAGGACCTTGAAAACGTTTTGGAGCCTTTATTTTATCATTGGAAGCGCAAACGGCACTCTAAAGAAT  
CGTTTGGTGCCTTCGCAAACCGCTTGGGGTTTGAGAAGCTTAAAGAGCTAGTTGAAAAATGGGATGGTCCTGT  
TCTTTCACCAGCACGTTACAATCTGAAGCTTTTTGCTGACAAAGATACATATGAGGCCATGGATGACCTTGCAC  
AGCTTCAGAATAAGAATGCCGTCAATTACCAATGGAAGTAATCCGCAACTACGTGGCTGCTCATCACAGTGT  
GAGGACCGAATGATTTGCTAAGAGAG

>trans\_c\_1411 EF608213|Hakea actites peptide transporter (PTR4) mRNA, complete cds

CTGGAGGCTATGCACAGTAACTCAGGTTGAGGAATTAAGATTCTTATCCGAATGTTCCCAATATGGGCTACT  
GGAATTGTCTTTGCTGCTGTATGCGCCAAATGTCGACATTATTCGTGGAACAAGGAACAATGCTGGACAAGA  
CTATTGGTTCTTTCGCATTCTCCAGCCTCTCTCGACCTTTGATGTAGTAAGTGTTATTTTCTGGGTGCCTGT  
GTATGATAGATTCATAGTCCCAATTGCAAAAAATTTACAGGAAAGGAGAGGGGATTCACCGAAATACAGCGA  
ATGGGTATCGGCCTATTCATATCAGTATTATGCATGCCAGCTGCAGCTGTGGTAGAGATCAAACGACTAGAAC  
TCGCAAGAGAGCTTGATTTGGTGCATAAACCAGAGGCTGTACCACTAAGCATACTTTGGCAAATACCACAATA  
TTTCTTGCTGGGTGCAGCAGAAGTATTCACGTTTATTGGACAGCTTGAGTTTTTCTATGATCAATCTCCAGATG  
CCATGAGGAGTTTGTGTAGTGCATTATCTCTATTGACCACTGCTTTGGGGAATTACCTCAGTTCATTCTCTAA  
CCATTGTAACCTACTTGACAACAAGAAATGGGCAGTCTGGGTGGATACCAGATAACTTAAACGAGGGCCATTT  
GGATTTCTTCTTGCTTTTGGCTGGACTTAGCTTCTTGAACCTGTTGGTTTATACTGTCTGTGCCAAACGCTA  
CCGCCCCAAGAAGGCTTCTCAAGTGTGAAGAAACGAGATGATGCAGTACTGTAACCCACAAAAGGCCATTTTC  
AAAACCATGTTTGGGTAATTATTATGGTCTACTGTATATAAACTATAAACTCCCCCATGTTTCTTTTCTTTTATT  
TTCTTCCCTTAACCTTTAATTCATTTTAATATTGCAATTTGGCAAAGTTCGATGTTATGTGCTTCAATGGATTA  
GTAACCATCTTTGGTGGTTCATTAGTTTATGATTGTTTTTATTTAAAGCTCTGTGTTTGAGAAATTCTGCATGGC  
AGTGTCTTAAATGGAATAGTCTTCCTATCGGCATTTTGGGAAAAATGAATATTAAGGAATTCAGATCATGTAT  
TAAATAAA

>trans\_c\_1412 BT029302|Arabidopsis thaliana At2g13690 mRNA, complete cds

TGGGTTATCCATTTCTTGGTTGCAAGAAGGTATCTGCAAGTATCATGTTACAAAGTGTGTTGCTTCATGCTTA  
AAGTACTTGGAGGCTGTGCCTTGGACAGAGGAGGAAGAAGAGAACTAAGGAATCTGTTTATAAAAGTCAA  
GTTTGATGATGCAACAAGTAGAGATGTCATGGCTAGACTACGCTTGCTCGATTAGTAATTTACAGCAAGGC  
GTAGCCAGCAGGCTTGTGTTGGTCTATTTCCACGTGTTTCAATTCCATTGCAAGAAATGAACTGAAATCTTTAGT  
CAAAGGTCTTCTGTGCAAGAGCTCAGTTTATGAGAAAGATCATCTGGACCTCAGTGAAGAGGACCTCTATGCA  
GTTTTCCATACTTGTATAGCTTCATTAGCCAGTCTTTTGAAGGGATCCTCCCATGCCGTCTGCCCCAAAACACAT  
GTAAAGAATATAACCGAGAAGCCATTAATTGAACAGATCGCTACGGAGGTAGATACCATCAACTGGCTGCTT  
GAAATTTTACTCGATTGGCAAATGGCTGAAGAATTTGTCAATATATGGGCAGAACAGAAAGAACTGATTAGA

ATGCACGATAACACTTCACCTATGGTTAGGTACGAGCTCAGTCGGGTTTCAGCAAACCTATTTCATTGCAATAGG  
GACAAGAAAATTGAATTGTCGTTTCGGAACAAGGTCTGGACTGCTGCAAGCGTGGTTTGGTCCAATGCTACTA  
GATTTTGGTTGGCTACAACGCTGCAAAAAGGCCTAGATATGAAAATGCTGGAAGAAGCCATGGGTCAAGGCA  
TTACTTACTCTACCTATGAAACAACAGCATTTGCTATTTATGGACTGGTGTAGGTTCTTCCCCAACGTGGTACC  
GAGTGCCCTAATCTCAGCAAGTCGTTCCAAAAGGGTGGCGTCGTTCAATCCTAAGAGGTTCTGAGACCTACT  
CCATTGAATCTAGGTAGCTCCTCTCCTCTCCCTTCACCCACTTCTTGAGTTATAGCCAAAGTGAAGCAGTTGTGT  
GTACACCTTAAAGTTAACAATAAGGTTGTTTGTACAACCTTTAGAGCAACAGACAGAGTTTATAATTTGTAAGT  
TACTTTGTGGAAATTATATA

>trans\_c\_1413 HM122693|Malus x domestica TCP domain class transcription factor (TCP13) mRNA,  
complete cds

AAAGAGGAACCCACTTTTCTTTTTGGGTCCTCCCCATCCCCACACACAGACATGGCAGACCAAAAACAACAACAA  
CAACAACAACAACAAGCATCACCCATTACTTCCTTCTCCTGCAACTTCTTCATCTCCATTAACAACACCTCCATTA  
CCTACACCTTCTTCAGATATCAAAGACTTCACTCTCATTATTTCAAACAAAGATCAAAAACAACAGCAACAGCAA  
CAGCAACAACAACAACAACAATTGGCTCCTAAACGTACCTCTAATAAAGACCGTCATAAAAAAGTCGATGGC  
CGTGGTCGTAGAAATCCGTATGCCTGCTCTTTGTGCTGCTCGTGTCTTTCAATTAACCTCGTGAATTGGGTCATAA  
AACTGATGGGGAGACCATTCAATGGCTTCTTCAACAAGCTGAGCCTTCTATTATTGCTGCCACTGGCTCCGGTA  
CTATCCCCGCTTCTGCTCTTCATGCTGCTGGTGTTCCTTTCCGATCATGACTCCTCTGTTTCTGTCTCTGCTTCT  
TTAACCCTTAAATCGAAGCGGTTCCAGGACCAATTGGGCGATGATGGGTGCTAATTTGAGTAGATCTCACA  
TGGCCACCCCGGGGTTTTGGCCCTCTTAGGTGGGATTGGGACTGGATTTGTTAGTGAGAATCCGGGGTCGAT  
TATGCCCAAGTTTGGGTTTCATGGGTTTGAATTCAGGGGATGAATTTGGGATCGGTGAATTTTCCGGGCATG  
ATTGGGAATCAACATCAACAAATACCTGGGTTGGAGTTAGGGCTTTCGCAGGATGGGAATAATTTGAGAGGG  
ATGTTGAATCCGCTTCGTTTTCGCAAATTTATCATCAAATTTGGCCAAAATCGTGAGTCCTCTGCACCCCATTTG  
GAGCAGGATCAAGCTCCTGAGAAAGATGATTCTCAAGAATCGAGATAAAGGATGACGACGATGATGATGATG  
AACGAAGGATTTGATGATTTGGGTTTTCAAATGGAACTCTTTTCGGATTTCTAGGTCTAAAATTAGGACTAA  
AGAAGGGCAAATGAAGAAGACGAAGATTCAAAGATTGGTTCATAATTTTCAGTGTGTGTGTTTGATTCTTCN  
AATCAAGGTGG

>trans\_c\_1414 U60483|Solanum tuberosum actin (Pot82) gene, partial cds

ACCAATCCAGACACTATATTTTCTCTCTGGTGGTGCCACCACCTTGATCTTCATGCTGCTGGAGCCAATGCGG  
AGATTTCTTGCTCATTCTATCGGCAATTCCTGAAAACATGGTCGAACCACCAGAGAGGACAATGTTGCCATAC  
AGATCCTTCTGATATCCACATCGCACTTCATGATGGAATTATATGTGGTTTCATGAATACCTGCAGCTTCCATT  
CCGATCATGGATGGCTGGAAAAGAACTTCTGGGCATCTAAAACGCTCAGCACCAATTGTGATGACCTGTCCAT  
CAGGCAACTCATAGCTCTTTTCAACGGATGAACTGGTTTTGGATGTTTCAAGCTCCTGCTCGTAGTCAAGCGCA  
ATATATGAAAGCTTTTCTTCATATCTCTCACAATCTCACGCTCTGCTGTGGTGGTAAATGAATAACCACGCTCC  
GTGAGGATTTTCATCAAGTTATCGGTTAGATCACGGCCAACCTAGATCAAGTCGAAGAATGGCATGTGGAAGA  
GCATAACCCTCATATATGGGGACTGTATGACTGACACCATCACCAGAGTCCATCACAATGCCTACATAATAGA  
ATACAATCCATCATTGCTAAATAATGTCCTCAAATACCAATCAGCTGGTGACACAATCAAATCAAAGATCAAAC  
TTTCAAACCTTAATTCAATCTTCAAAAGTTTGCAGCGACAATGAACTTATTAGACAAATGCAAATGGTATAATGAA  
GCCTTAACAGTCGTTCCGCCGCTGGCATAAGTGAGAGGACAGCTTGAATAGCTACATACATTGCCGGAGTGT  
TGAAGGTCTCAAACATGATTTGGGTCTCTTTTACGGTTAGCCTTGGGGTTAAGAGGAGCCTCTGTTAGGAG  
AACAGGATGCTCCTCCGGCGCAACACGGAGCTCGTTATAGAACGTGTGATGCCATATCTTTTCCATATCATCCC  
AGTTGCTCACAATACCATGCTCAATTGGGTATTTAGAGTCAAATACCACGCTTGGATTGAGCTTCATCGCCA

ACATAAGCATCTTTCTGGNCCATGCCAACCATCACCCCGGTGTGGCGAGGACGACCAACAATGCTAGGGAAG  
ACTGCCCCGGGGAGCA

>trans\_c\_1415 GU451708|Gossypium hirsutum 14-3-3f protein mRNA, complete cds

ACCACCAAACATACAAACGAAAGTCGATTTTACACAGCTCAGTTTTTCTTCCTCCCGCACTGAGTCTCTCTAAT  
GGCGTCCGCCATCCCTGAAAACCTAACAAAGGGAGCAGTATGTTTACCTATCCAAGCTTCCGAGCAAGCCGAG  
CGCTACGAGGAAATGGTCAACTTCATGCAAAAGCTTGATTGACCTCCACTCCTGCCTCTGAGCTCACTGTCGA  
GGAACGCAATCTCCTTCCGTTGCATACAAGAACGTGATCGGTTCTCTCCGAGCGGCTTGGCGCATCGTATCCT  
CCATTGAACAGAAGGAAGAAGGAAGGAAGAACGAAGATCATGTTGTCCTCGTCAAAGATTATAGATCCAAGG  
TCGAAACCGAACTCACCGAGGTCTGCGCCAATATTTTGAAGCTTTTGGACTCCAATCTCATACCATCTTCGGCC  
TCTGGTGAATCTAAGGTGTTCTACTTAAAGATGAAGGGAGATTACCATAGGTATTTGGCTGAGTTTAAGATTG  
GGGAGGAGAGGAAGTCCGCCGCCGAGGATACCATGCTAGCTTACAAGGCTGCTCAGGATATTGCAGTTGCCG  
ATCTTGACCAACGCATCCAATCAGGCTGGGCCTAGCACTAAATTTCTCTGTTTTTACTTTGAGATCCTGAACC  
AGTCTGATAAAGCTTGATGATGGCCAAGCAGGCATTGAAGAAGCGATTGCGGAATTGGACACATTAGGTG  
AGGAATCATACAAGGATAGCACCTGATCATGCAACTCTAAGAGACAATCTCACCTTTGGACTTCGGATTC  
GCAGGACCAGTTAGACGAGCCATAGATGGCGTCATGGAGTCGAAGGTCTGTTTTATCCCCTTTTGGAGGAG  
GTGGGCTTCGAATGTCATTTTCCTTGCTTTGTTCTAGTGTGTAAATTTGACAATGGAGAAACCTGAAAAAATTG  
GAAGCATTTGATAAAAACATTATCCATCAGTTATGAGAGTATGTCTCTTAATTCATGTAGGATCTCATTTGGTT  
GAAACCACATGTAAGTAAAAGACATTTCTAATGTTTTTCAATTGGCAAAAAGTCCTTTAATTGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1416 AY290702|Nicotiana benthamiana zinc finger protein PIF1 mRNA, complete cds

ATCACTCCAAACACACACTTTCAACTTTCAACTTTCAACTTTGCCCCAATTCTTGATCTCGTTTGTTCCATCAGC  
TTTACATCTTCTCTCTAATGGCTCTTGAAGCTCTGAATTCTCCTACAACTCCATCACCAGCTCTTCACTACGAC  
GAACCAAGCCTCAATTCATTCGAGTCTTGGTCTAAGCGGAAGAGAACTAAGCGTCCACGTGGATTTGATAACC  
CTCCTACTGAGGAAGAGTATTTAGCCTTATGTCTCATCATGCTTGCTCGTGGTGGCGCAACCGCTACTTCTGAT  
TCTGATCACCACTTGATTATGAAGTTCCAATTCTGCTCAACCCATATCTGTTGTTAACTTAGTTACAAGTGC  
TCTGTTTGTGACAAAGCTTTTTCTGCTTATCAAGCTTTGGGTGGACATAAAGCTAGCCACAGAAAATCAGCTAC  
AGGGGAAGATCAATCCAATTCTCCACCACAACCTACTTCTGCCACCGCTACTGCCACCGCTCCGTCGCTGGAG  
CTAAATCCCACCACTGCTCTATTTGTACAAGTCTTTTCCACCGGTCAAGCCTTAGGCGGTACAAAACGTTGC  
CACTACGACGCGGACTCAGTAACAACAACAATCACCCACATAGTCATCATAACAACAACAACAACGCCA  
CTGCGGCCGTGACATCGTCCGAAGGAGTTGGGTCTACTCACACACAGAGTCACAGCCACCGTGACTTTGACCT  
TAACCTCCCAGCCTTGCCGGAGTTATCACCAGGATTCTTTATCTCTGCCGGGGACGACGAGGTTCAAAGTCCAT  
TACCTCTGAAGAAGCCTCGTATATTAACAATTCCTAAAATTGAAGTTTCTCAAATTAATCAACTGGGAATCAT  
TTAGTTCCAGAAATCTTAGAGAAAAGAAACAGAATTTGTTTGAATTTGTTTGTAGTAGGTGATTTGTTTGTG  
TGTAATAGAAGGAAAGTAGAGATTAGATTATAACCCCCACCCACCATTTACAACCCTTTGTTTGTCTACTC  
GTATACCACTATTGTTCTTTGTAAGTTCATCCACATGATAAATTCAATTGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1417 FJ643600|Actinidia latifolia GDP-D-mannose pyrophosphorylase (GMP) mRNA,  
complete cds

TCTTCTTCAATTCGCATATTTATGGAGGCCGATAAGGCTCCATTCTTCCCTCCGCAGGCCTCCTCTGATCAGAA  
CCCGACGGAAACCCAAACCTTAAGGTCTAACCGCGGGAATAACTCTGAACCAGAGCTCTCGCGGTCTAAATTC  
CACTGCTTTTCCGTTTCACCTCGGGTTCTGATCCCCCTGACATCTTTAGAAAGCAGAAATTAGCACATCACAATG

AAGGCACTTATTCTTGTTGGAGGATTTGGAACCTGTTTGAGGCCACTGACCCTCAGTGTTCCCAAGCCACTTGT  
TGACTTTGCGAATAAACCCATGATCTTGACCAGATAGAAGCTCTCAAGGCTATTGGAGTGGAAGAAGTGGTT  
CTGGCAATCAATTATCAGCCAGAAGTAATGTTGAATTTCTTGAAAGAATTTGAGAAAAAGCTTGGGATCAAGA  
TCACATGCTCTCAGGAGACAGAACCCCTTGGAACAGCTGGCCCTCTGGCCCTTGCAAGGGACAACTGATAGA  
TGATTGAGGCGAGCCATTCTTTGTCCTCAATAGCGACGTTATCAGTGAGTACCCACTTAAACAAATGATTGAAT  
TCCACAAGAGCCATGGGGGAGAGGCTTCAATCATGGTCACCAAGGTGGATGAGCCTTCCAAATACGGTGTGG  
TGGTCATGGACGAATCTACAGGGAAAGTTGAGAAATTTGCCGAGAAACCAAACTATTTGTGGGCAACAAAA  
TCAATGCGGGAATTTACCTATTAAACCCCTCTGTTCTAGATAGAATCGAACTGAGACCAACATCCATTGAGAAA  
GAGGTGTTCCCTAGCATTGCAGCAGAGCAGAAGCTTTATGCAATGGTACTGCCAGGGTTTTGGATGGATATCG  
GACAGCCAAAAGATTATATCACAGGACTAAGATTATATCTAACTCCTTGAGAAAGAACTCTTCATCCATGTTA  
GCCGTTGGATCTCACATTGTAGGGAATGTTCTGGTGGATGAGACAGCGAAGATTGGTGAAGGATGTCTGATT  
GGTCCTGACGTTGCCATCGTCTGGTTGTGTTGTTGAGTCAGGAGTCCGGCTATCTCGATGCACCGATTACG  
CACCTCAGCTTTATCTTG

>trans\_c\_1418 AY109818|Zea mays CL554\_3 mRNA sequence

TGGCACCAAAATTTTATGTTTTGTTCTCTAGAAATAGAAACCTGTGGTGACAGATTATAGCAGTTCATCTGGT  
GGAGGGACAGTGATCCTTGATGATTGTAATTTTACGAATCTGTGCATCTTGATAATTTTGACACTGACAGAAC  
TTTGGTCTCGGTACCACCAGAAGGTGAATTTCTGTCTATGAATTATCGAATGACTCAAGAATTCAAGCCTCCCT  
TTCGTATTAATGCCTTAATTGAAGAAGCAGGGTCCCTTAAGGCTGAAGTAATTCTCAAAGTTCGTGCTGAATTT  
GCCTCCAGCATCACAGCAAACACAATTATGATTCAGATGCCCCCTTCCAACCTTCACAACAAGGGTCAGTTTTGA  
ATTGGAACCTGGAGCAGTTGGAATACAACCTGATTTTAAAGAGGCGAACAATAGACTAGAATGGGGTTTTGAA  
GAAGATTGTTGGTGGATCTGAACATACTTTACGTGCAAGGCTCACATTTTCACAAGAATCACATGGAAACATC  
GTGAAAGAAGCTGGACCTGTTAGTATGACATTCACTATTCCAATGTACAACGCTTCAAGGCTCCAGGTTAAGT  
ACTTGACAGATTGCAAAGAAGTCTAAAACCTATAATCCATATAGGTGGGTAAAGATATGTGACACAAGCAAATTC  
ATATGTTGCTCGGTTGTGAATGTAGCCTTCCTCGATCTAGTTTCTCTCTTTTATTATTTTGAGCTGCTCTATCAGT  
AAGCAAAATAAACACTTGTTGGGTTGTGGTTTATCTGAGGCTGTGTTTGGTGCATGATATGGAGTTATTTTTATC  
TTGTGGAGTTTCGAGTGTTGCTTATTCATCCTTCAAGTGCACCTCTCATAATAGCTGTGGTCTACAGTGTTCTATA  
GTGTGGAATGCTTTAAAGTTATCAAAATTGTCAAAAACGGCATTGTAACTAGTAATTAGGAAACTACGGCAT  
ATGGGCTAATAGACATATTCAAGTCAGAGTGGTGGTCTACATTCTAGTAAGTCAGGTCGGCGCTTTGAAATTTA  
ATTCATGTATTTAATTTGAACCTTGAACCTTAATGATGATTAGGTATTAGGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1419 AY914602|Euphorbia characias aldehyde dehydrogenase family 7 member A1  
mRNA, complete cds

ACGGTGACATTACTTCCATTTTCTCTCTGGGTTTGATCTCTTACAGAGATGGGTTTGTCTAAGGAGTATGGTTTC  
TTGAGTGAGATCGGTCTTGTTCTCGCAATTTGGGGTGTTACGTTAATGGCGCATGGAAGGGAAATGGGCCA  
GTAGTTTCCTCTTGAATCCTGCTAATAATCAGGTAATTGCAGAAGTAGTGAGGCTTCCACTCAAGATTATGA  
GGAGGGCATGCAGGCATGCAGTGAAGCGGCAAAAATATGGATGCAGGTTCTGCACCCAAAAGAGGAGATA  
TTGTAAGACAGATAGGAGATGCACTAAGAGCTAACTCCACCAGCTTGGTCGCCTCGTGTCACTTGAGATGGG  
AAAGATACTCCCCGAAGGGATAGGAGAAGTTCAGGAAATTATTGACATGTGTGACTTTTCTGTTGGTCTAAGT  
CGACAACCTTAACGGATCAATAATACCATCTGAGCGCCCCAATCATATAATGATGGAGATGTGGAACCTCTTG  
GAATAGTTGGTGTATTACAGCTTTCAACTTTCCTTGTGCTGTTCTTGGTTGGAATGCTTGCAATTGCACTAGTTT  
GTGGGAACTGCGTTGTTTGAAAGGTGCTCCAACAACCCCTTAATCACCATTGCAATGACAAAGTTAGTGGC  
TGGAGTTCTAGAAAAGAACAACTTACCAGGTGCGATTTTCATATCCTTTTGTGGTGGTGTGAAATCGGGCAA

GCAATAGCAAAAGACAGGCGTATTCTTTGGTTTCATTTACTGGCAGTTCCAAGGTTGGTCTAATGGTTCAGCA  
AACTGTAAATGAGAGATATGGAAAATGCTTGCTTGAGTTGAGTGGAAATAATGCAATTGTTGTCATGGATGAT  
GCTGATATCCAACCTTGCTGTTCCGGTCTGTTCTCTCGCCGCTGTTGGCACAGCAGGACAACGATGCACAACATG  
TCGAAGGCTGCTGCTTCATGAAAGCATCTATCAGAAAGTGCTTGATCAATTGGTTGATGTGTACAAACAAGTA  
AAAATTGGAGACCCTCTTGAGAAAGGTACCTTACTAGGGCCATTGCACACGTCAGATTCAAGGAAGAATTTTG  
CGAAGGGGATTGAGATCAT

>trans\_c\_1420 AF411787|Arabidopsis thaliana At2g20630/F23N11.5 mRNA, complete cds

CTCTAGTCTCTACTACTCAACTTCTCCCAATAATTCGATCTGTTCAACAAATTTTACAAACCCCAATGACAACCG  
GAAGAGAAATTCTCCACAAGATGAAGGTGAAGGCAGGGTTTTGTAGTTCATCGGCAGCGGAAACAGGAGGG  
AAAGGGAAAGGGAAAGTAACGGCAAGAATAGTAATAATAATAATGTAAGTTATGGGAGTTATTTGGTGAA  
GGGAAAAGCCAACCATCCAATGGAAGATTATTTAGTCACCGATTTCAAGAGAGTCAAAGAACATGATTTGGG  
TTTGTGTTGCTATTTTGTATGGACATTTGGGACATGATGTTGCTAATTTCTTGCAAAACAATCTCTTTGATAACAT  
CCTTAAACAGGGTGATTTGTGGAGCGAAACAAGAAAGGCAATAAAAAGAGCATACAAGAAAACAGACGAAG  
AAATATTGGATAAAGTGAAGCAACTCGGAAAAGGAGGATCAACCGCTGTAACCGCCATCTTGATCGACGCTC  
ACAAACTTGTGGTTGCCAACGCCGAGATTCTAGAGCTGTTTTGTGCAAAAACGGCGTCGCCTACCAACTTTC  
CGTTGACCATGAACCCACTAAAGAGAAAAGAGAAATTGAAAGCCGTGGTGGTTTTGTGTCAAACATTCCAGG  
TGATGTTCCACGTGTCGATGGACAATTGGCAGTTGCCAGAGCATTGGCGATAAGAGCTTAAAAATCCACCTC  
AGCTCAGAACCTGACGTGGAAGTCAAAACGGTTGACGAACTACGGAGTTCATGATCTTGGCTAGCGACGGC  
ATATGGAAGGTCATGACAAATCAAGAGGCCGTAGAATCAATTAGGCATATAAAGGATGCGAACGTAGCTGCA  
AAACGACTTATCGACGAAGCAGTTTCTAGGAGAAGCACGGATGACATATCATGCATTGTTGTTAGGTTTCGAT  
TATTTTCTTCCCTTTTTGCAAAATTTTAAATAGGCTATAATTTAATATAGTGTGTATAATGTTGGACAGTGAATT  
TGTTTGCCAATTGGCTACTGTCCATAAATTTCTTATAAATATTACTTCAAACCTCCACATTATCAAAGTTTATTCT  
GAATTTAAAGTCTTTTTTGTACTTT

>trans\_c\_1421 GU388432|Nicotiana benthamiana ER luminal protein receptor 2b (ERD2b) mRNA,  
complete cds

AGAATAATTTTGATTGTCGTGGGCAAAGGGAGAACAACCGAAAACGGCAATCGGGAAGCTTCTTCTCTGCG  
ACCATTTTTTCCGATTTCTGAGGTTGAAGTTTCATCAATCTCAGCCAAGAAGGATTCCCTTAGAGTTCAGCTTTA  
GAGATCGGCCCCCAATTTGTATTCTACGGGAACAGATCTAATCTATTAAGATGAATATCTTTAGATTAGCAGGT  
GATATGACCCATCTTGCAAGCGTTCTCGTCTTGCTCCTCAAGATTCACACCATTAAATCCTGTGCTGGTATTTCT  
TTGAAGACTCAAGAGCTATATGCAATTGTTTTACGACCCGCTACTTGGATATCTTTACCGACTTCATATCTCTG  
TATAATACGGTCATGAAGTTAATATTCTTGGGAAGTTCTTATTCAATTGTTTGGTATATTAGACGTCACAAGATT  
GTTGCTAGGTCATATGACAAGAACCAAGACACTTCCGCCATCTATTTCTTATCTTACCTTGTTTTGTCTTGGCC  
CTACTTATCAATGAAAAATTAACATTCAAGGAGGTGATGTGGACATTTTCTTTGTATTTGGAAGCTGTTGCCAT  
CCTCCCTCAGCTTGACTTCTACAACGGACGAAGAATATTGACAATTTGACTGGGCAATACGTATTTCTTCTTG  
GTGCGTACCGAGCTCTATACATTGTTAACTGGATCTACCGATACTTCACTGAGCCTCACTTTGTACACTGGATA  
ACTTGGATTTCTGGGCTCGTGCAAACGGCACTTTACGCCGACTTCTTCTATTATTATTTTCAGAGTTGGAAGAA  
CAACCAAAAACTCCAGTTGCCAGCTTAAGAAGTTGGAAGACATATATATATAAAAGAGAAGTCGCTTCACTTA  
TGACATTCAGTTGTATTTGTTTTTTAGTTTACAGTTACCACAAAATCCTGATCTTCTCGAATCTTCCAAGCGT  
GTGTTGTTGCTCTGTAAAACAGTTTTTGAGAGTGGCAGGTACTTTTATTACTACTAAATCAATAGAGAATAC  
ATGCCTGTAAGTTTGTGCTGTGAAGATTCTTATTCTCTATCTACTTCCACAAAGAGACCCCTTGGCAAAAAAAA  
AA



>trans\_c\_1422 XM\_003074262|Ostreococcus tauri Chromosome X open reading frame 37 (ISS)  
(Ot01g02490) mRNA, complete cds

AATCAGTTGGACTGCAGGGGAACAATAGACACGAAGTTGGTACTTACATTCAGAAGACCTTTGAAGATCAAG  
CAATCGGACCATTGGAAGAGGTCACTACGAATGCTTCTGAATTAAGCATTTCAGTAGAGTTGGAAAGGTT  
GGAGGCAGTGACGAGAATTGTATTTGATGACAACCATTGATTGAATTCATCTTCAGCAGCTGGAGGAGCAA  
ATAAATTCTAAAAAACTGGATCTTCTTGAAATGAAGTCACAGTGGGATGCAGAGAGGGAGCTTTTAGAAATTA  
AAAGGCGAAGTCTACAAGAATCACTATGTGCAAGAAATCCAATGGCTCAAGAAAAGCTGAAAAAACTGAGGG  
AGTTTGAATCGGAAAAGAAGCTCATTGAGTTGAAATCAGGAGGCGGGAGGAAGAAAATTCTAATATCACAA  
TAGATCTTAAGAAGCAGCCCAACAATCATCGAGACGATCCTATATCAATAGAGTAAAGGAGATCACAAAAA  
ACAGTCGAAACAAGATGCTGACATCGATAGAATCCTTAAAGAACTAGAGAGCTTCAGCTAGAAAGTAACA  
ATATTCAAGAGCGCCTCCATAGAACCTATGCAGTTGTGGATGAGCTAGTTCTCAGGGAAGCAAAAAAAGATG  
GCATAGGCAAACAAGCACACAAGCTTTAACTAGTATCCATGAGAACTTCGGTGAGATCTCGAACAAAATCCT  
CTCAACCGATAGACTAAGAAGGGGAACTGCAGAATACGAGAAGAAGATAGCAGCCTCGGCATCCCGAAGCTT  
AGATTTTAACAAACCTACAAGCTGATCTGGATGCTATCAGGAGAGAAAATAGTCACCTAACACATCTATGCCA  
TAAAAAACCCGTTGATGAAGTGTAGAATATTTTCTGGGGTTTTGTTTGTAGTGAAATCATTATCATGCTTTTCGT  
AGCGGTTACATTTTAGTGTAAGGGATGGAATAATACAATACAAATGACACTGTTATTACTAACTGGGTTTTCT  
ATTAATTAGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1423 NM\_001048732|Oryza sativa Japonica Group Os01g0179200 (Os01g0179200)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTCTTCTTCCCCCAATTCATTCCCTTTTGCCTCAATTTCAATCTGTGATCAAACCTCAATCGATTTCT  
CGCTCTATTTGATCTCCAACCTTGTTTCTCCACGTTTCGATTAACCTGCGTCGGCGGGATATTCAACGCGTTTCTGG  
TCGATTGAGGTGAATGGCGATTTTCGATCCAGATCTAGGGTTTTGCTTCCCTTTTTCTCTGAATTTTGTGCATTC  
TACCATTTGTTTTCTACTCCAAATTTTCTCGTTGAGGCTCGAGGGATTTGGATCTCGCGTCTGTGGAGAGCTTC  
AGCTTACTGCGTTGAAGATGGCTGTCAAAACAGCTCATTCAATTTAGAGATCGGACGCTGGAATTTCAGAACAT  
AACAGAGAGGGCTAAAGAAGTCTTCTCTTCTGGCACGGGAACAACCTGGACCAAGTGCTGTTTCAAAATCAGAA  
GAGCAGCGCTCTGCTGTGGCCCTACAGTCTGAATTTAATAAAAGGGCTTCCAAGATTGGGTTAGGGATACACC  
AGACGTCTCAGAACTCTCAAAGTTGGCAAAATTGGCAAGAGGACTTCTGTTTTGATGACCCAACAATGGA  
AATTCAGGAGCTAACTGCTCTTATTAAGCAGGACATTACAACATTGAACTCTGCCGTTGTAGATCTTCAGCTTC  
TCTGCAACTCTAGAAATGAAAATGGAACATATCCAGTGATACTACTAGTCATTCAACCACTGTGGTAGATGA  
TCTTAAGAATCGATTGATGAGCACGACAAAAGAATTTAAAGAAGTCCTGACCATGCGAACTGAAAATTTGAAG  
GGTCATGAGAACAGAAGACAACCTATTTTCTTCTACTGCTTCAAAGGAATCTACAAATCCTTTTGTTCGCCAGCG  
CCCATAGCATCCAGGTCAGCTTCTGGTGCCCAAGCGCAGCCCTCCTCCATGGGCCAAGGCATCTACATCTT  
TTTCCAAAGCATCTCCCGGAAGCAGGTGGATGGGGGAGGGTCAACCATTGTTGCAGCAGCAGCAGCAGCA  
GCAGCAGATGGTTCCATTACAAGATACTTACATGCAGAGCAGAGCTGAAGCTCTTCAAATGTAGAATCCAC  
ATTCATGAAT

>trans\_c\_1424 BT011602|Arabidopsis thaliana At3g51100 mRNA, complete cds

AGAGAAAAAAGCTAAAAACAAAACCTTCCATTATAGTGTTATTCCTCCAAGTCTTATAGCCTAGTATTTGAGA  
GAGGGAGAGAGATTTTGGGGGCTAACCTTTACGCCAGTAATTCTATTGTATTTGTATTTGATGTTTCATAGCCA  
AAGAAAGTCTTCAAGAACTTGGAGATGGATGAATCAGGCGGAGTTCAAAATCAAGCACCTAATCGTACCTCTA  
ATGGGATTAAAGATTCGAAAGGCAAGTCTTGTAAGGGCTGCCTCTATTACTCTTCACTTCAAAAAATCCAAATCT  
AAGACACCCACTTGCAATTGGATTGTCCAAAACCTCTCGACCAAGTACCGAAATACATAGTGGGAGAACTGAGT

TGGAAGCTTCAAAAGAGGGACGCAGTCTTACAGATTTCAAGTATGCTTGCGTTGGTTACTCTGTCTACTTAGA  
AAAGAAAGATTCATCAAATGATGTGCAGAACAAACAAGCTGAGCTCCCCTTCTGCGTTGGTTTAGAGGTATTG  
TTGGACAAAAGACCAGCAGAAAAATTCTCAAGCTCATATTCATAATAAACTGAAGATAGCCCTGCCTTCCACA  
ACCACGCAACTATAAACCATCATACCCGGCTGGAGATGAGTATCTAAACAGGTTTAAACGAAATGCAGCCCTT  
GTCGCATCAGGTGTCGCAAGGAATGTGAACAGAGTTTGCAACTATGTAAAAGAGAGTTTGGATGATATCTTAT  
ACCCATATCGAAGGCGTCCGAAATGAGGTGGTACCTCCACAGATTGTAGAATAAATATCAGTCATTACAGTAT  
GTAGTTGAGAATCCAGACGTGGCCCGATCATGTGAAATATCGATAAAATTCTCATATTTCTTATAAACTGTGT  
AGAGATGACATCGAGGGAGCACGTCATCATCGTTACTTGGCGCTGTAATGAATAAAGTAATGAATTTAAAGTT  
TCATGATTTGTTTATGTTTTGATGCAAAGCCATTGCTTTTGCTTGGGAGTCAAAGCTTGGCCTTTGAATCTCAG  
GATGAGTTTCAAAATGAATATTTATTAGTTTCTAAGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1425 XM\_002873228|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata homeobox-leucine zipper protein  
14 (HAT14), mRNA

ATACTCTCTTTTCTTTTTTCCCGCAGTCTCTCCACTCCCAAACCTCTCCGTTCACTCCATTCCCTACCTTTCTGC  
CTCTGCGCCGCCCCACACATGGAGCTTGGCCTCAGCTTGGGCGACGCCCCAAGCCCTTCCGCTTGTGCGACA  
AGCAATCTCAAGTCCCCTCCCCGAGCGCCGGCTTTCCCGGAAAGATTTAGGGTTCTGTGTCGACTTATCGATT  
GGCCGTTTCGGTCGCCGGAGATAAAGAAGACGACGAAGACAAACCTAATCAAGGAGAAGATGAATCTGATGG  
TAATGAAGATCCACCGTTCAACTCGATCTTCTCCCTCATAATCCCGTTCTCGAAACTTGACTAATCCGTACCA  
AGGATTTCCATGGCCGTCGTCCGAAAACGATGAAGGCGAAGATCGAACCGCATCGCCGAATAGCGCTGCGTC  
GTCGTTTCAAATGGAATTTGGACTGTACGGCAGCGGAGGTAACATTTCTTGCCGGAGAGATCAAATGGAAAA  
TGGTGTAAATGAACGAAGTAGGTGAATCTGAAAGAGCTTCTTCAAGAGCTAGCGATGAAGACGAGAATGGCTG  
TACACGGAAGAACTCAGACTCTCTAAGAACAATCCGCTTTTCTTGAAGAAAGCTTCAAAGAACACAACACA  
TTGAACCCTAAACAGAAACTGGCACTGGCTAAGCAACTGAATCTTCGTCCTCGCCAAGTGGAAGTTTGGTTTC  
AAAATAGAAGAGCAAGGACGAAATTGAAGCAAACGGAAGTAGATTGTGAGTATTTGAAAAGATGTTGTGAG  
ACATTAACAGAAGAGAATCGACGGCTTCAAAGGAGCTTCAAGAATAAAAAGCTTTGAAAACCACAAATTCCC  
TCTACATGCAATTACCAGCTACAACACTAACCATGTGTCCGTCTTGTGAAAGAGTGACCTCATCTTCCGCCGCT  
TCCACCGTCGACGACGGAGGGAGTTACAAAACGATCTGGGTTAGCCATTGGTGGTGGGCGACCAGGTTCT  
TCATCTTTCCATTTTCTGCTAAACACAGTCCCACCAGTCAACAGCTTCATGATAACGAGATGGGTTAGGCGA  
ATCATGATGGGGTCCCTTT

>trans\_c\_1426 XM\_002305085|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription  
factor (ERF48), mRNA

ATAATCAACATACAATCAATCCATCGCATTACCGTTCTCCAATACTCACAATAATTTACTATGGCGCCGAGAG  
ACAAGGTTAAGGCGGCTTCGGCGGCGGTGACGGCGTCGTCCGGGTCTAAGGACATGGAGGTGCATTTTAGA  
GGGGTGAGGAAGAGGCCATGGGGGAGATACGCGGCGGAGATTAGAGATCCGGCGAAGAAAAGCCGTGTGT  
GGTTAGGCACATTTGACACGGCGGAGGAAGCGGCGAGGGCTTACGACGCCGCCGACGCAATTCCGTGGC  
GCCAAGGCTAAACTAATTTCCCCTTCCGCTACCGTCAACGATCTTAATCTGAGTCCTAGCCGGAGTAGTAC  
CGTCGAATCTTCCAGCCGGGACCCCACTGATTTTGACCTTAATCAGGATGCCTCTGGATCTAGGCCGCCGTTTC  
CTTCCCAACAGCATCAAAGTGACTCAGATTCATCTCTGTTATTAATCTGAACCAAAATGATGACCACAAATCA  
AGACCCGCTCTAGATCTCGATCTCAATTTCCCTCCACCGGACTCCGCTTAGGTTTTGATTATCCATGTCCATGAA  
TTTTCTTTTTTTAATTCTCTCATGTAAATTAATACAGTGTACTAGAAAGAAAAAACAACAAAAACGAA  
GGAGTTTCCAGGAATTGATTGGTTGGGTTGGGTTTCTGTTATGGATATATGTGAAGGTGAAGGAAGGCTGCA  
GCCAGATCGTCGTGGCGGAGCGAACGATTATTCGAGGCGGGAGAAAGAGATAAATATTTAGATGCACACAT

CCAATTGGGGGAGAAAAATTTAGAAATATTTCTATACAATTTTGGCCTGTTAGAAAAAGAAAAATATGAATGT  
AGTTTAAAATGTTTAGCAATTTTTTTGAGATTTTCATATGTACTCTCCTTTGACATGGGTTGGATTTCTACATGTC  
GTTTTCTGTCTGATTTATCGTTTCTCTCTAACTCGTTCTTCATCATAGTGTTGTGTTGTGTGTCGTTTCTTTATT  
TTCTAAGGAAATGACAATTTGTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1427 NM\_180414|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein  
(AT3G57800) mRNA, complete cds

CGGAGACGACAAGCTCAGTGCCGTTGAATTCGAGTGTGAATTTGAGAAGGTGAAGAACGAGCCCACAACCTG  
ACACCGATTTCGAACCTAATCCCTTGCAGACTTTAATCTCCGATCCGAAGGTGGAGAACACGAACCAGAGATC  
GGCGAAGAGGAAGGAACGCGAGAAAAAGGGAAGAGGGTCAACAAAGAAGAGCAAGAATGAAAGCAACGA  
GGATGCAGAAAAGCTTCCTTATGTTTCATGTCCGAGCTCGCCGTGGTCAAGCGACAGACAGCCATAGCCTAGCA  
GAGCGAGCAAGGAGAGAGAAAAATCAATGCTCGGATGAAGCTACTTCAAGAACTGGTCCCTGGATGCAATAA  
GATCTCAGGCACAGCTCTAGTGTTGGATGAAATCATCAACCATGTACAATCACTGCAGCGTCAAGTGGAGTTC  
TTGTCAATGAGGCTTGCCGCAGTTAACCCAGAGTTGATTTCAACATTGAAAGCATATTGGCTACAGAAAATG  
AACCCATACTCGAAAGCAACTTCCAACGATGGTTTCGCCATTGATGTGGCCAGAAATCCCCGTAATGGAAC  
AAGACAACAATATCAACCCCAATGGCATTTCGATGGCTCAGTTAACCAGCAAGGGTGGGCAAGGGATGAACA  
TAATCATCATAATTTAGCCCTCTGAAAATCTCTTTTAAGTTACGACTCTTCAGCAAATTCAGCATCTCTGCA  
CTCAAATCAATTGAAGATGGAGCTGTGAAGGGCAACCATTGTATTGTTTACTTGTAGCCATCTAGTGTATATA  
GCCATATATATAATAATAGTAATAGCAGTTTAGCAGAGGAAGTATAGAATCTACCTCAGCATTCAACTGGTTCT  
TCTTCTTTCTCCGAGGTTCTCTAATTATCAGAGTCGAGAGCCGAGCATGTCGACTTGGTTGGAAACCGGATT  
GCTATCAACAACAACCTAGAGAGGAATGTGATTTGGTATCTCCAATCTTAATATCTAAAATTTTTATTGTATAC  
TAATTTGGAGGCTCCTTTCAAGCTAATACTGAGATTGCCAGATTAAAATTGTATTGATTATGATTGCAATTGTT  
AAAAGTGATTGCTACTTGAC

>trans\_c\_1428 XM\_002879536|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata helicase domain-containing protein,  
mRNA

ACCGAGATCCATTTATTTTGGCCATTAATAGGAAAGAGGAAGCAAATGATGCAAAGAAATCATTTGCTGGTGA  
CTCTTGCAGTGATCACGTTGCTCTTCTTAAAGCCTTTGAAGGATGGAAGGATGCAAAAAGAAATGGAGCTGAA  
AGATCGTTCTGTTGGGATAACTTTTTATCTCCAGTAACCTTGCAAGATGATGGATGACATGAGAATGCAGTTTTT  
AGATCTATTATCTGATATTGGCTTTGTGAACAAGTCCAGGGGTCCAAGTGCATACAACCAAGTACAGCCAAGAT  
TTGGAGATGGTGTGTGCGGTGCTTTGTGCTGGACTATATCCTAATGTCGTACAATGTAAAAGAAGAGGAAAG  
AGGACAGCCTTCTATACTAAGGAAGTTGGGAAAGTTGATATTCATCCCGGATCTGTGAATGCAGGGGTTTCATA  
TCTTCCCTTTGCCTTACATGGTTTACAGTGAGAAGGTCAAAACCACTAGTATATACATTAGAGACTCTACCAAT  
ATATCGGACTATGCCTTGTTGTTGCTCGGTGGTAATCTTGTACCTACCAACACTGGAGATGGCATTGAAATGCT  
TGGTGGCTACCTTCATTTCTCTGCATCGAAGAGCGTTTTAGATTAAATAAGAACTGCGCGGTGAACTAGAC  
AAGCTTTTTAATAGAAAGATTGAGGAGCCGGTTTCGACATTAATACTGAAGGAAAAGGAGTGGTGGCAGCT  
GCAGTTGAGTTACTGCACAGTCAAGTTGTACATCACTGATTCTTAATTGCTTGGTTTAGTTGTAATTTTGCTCCT  
TCTACTATCAACTAAGAATATAACAAAGGAATCTTAACGAAGGGATTGATCTGGTCTTTCTGCTTTTGGGTACC  
CCCTACCTGAATATGGGATATAATGATCCCTAATCAATAGCAAGGTTTGTTGGTATGGAATAGTTTGCTGACGT  
TTTTTCCCAAGTGATTACACTTACGCCAGGCTGATCTTTGTACAATTTAGGACGTATGTGAAATTATTAATAA  
GTTAATTACTTGATATTATTCCTAATCTCTTTTATTGGTTAGTTGTAATCTTTTGTATTAACTTGGCTATT  
TATGCCCTTG

>trans\_c\_1429 NM\_100005|Arabidopsis thaliana NC domain-containing protein-related (AT1G01225) mRNA, complete cds

ACGCACAGTGGCGGTTGGATGAAGAAGTAGACCCAGCAAAAGGGAGCAGGCCGAAGCAAAACAAATGGGT  
TTGATCAGTAATCGAGTGGAGAGAAAGTGAATCAAACCAGGCGACCACATTTACACTTATAGAGCTGTTTTCG  
CTTACTCCCATCATGGCATTTTGTAGGAGGAAGCAAGGTTGTGCATTTTAGACCTCAGAGAACTTGAACCTCA  
AGCACTGACACTCCTGATTTCTACGATTCAAGTTCAAGCAATCCATCATCCTGTCCAATTTTCCCTGACTGTGGA  
TTTAGACAGCCAAACAGTGGGGTAGTTCCTTCTGTCTGGACTGCTTCTGAGAAATGGATCCCTTTACTGCTT  
TGATTATGGAGTTCCTCCATCAGTTTTTCTTCCAGGGTAAGGGGTGGCACTTGCACCACTGCAACATCGGACT  
CATTCGATATGGTTATTCATCGAGCAATGTATCTTCTTCAAATGGATTTGGAACTACAATGTGTTTCAAAC  
AACTGTGAGGATTTTGTCTATATTGCAAAACAGGTCTTCTGATAGTGGACAGGCTTGGGGTTGGAAGAAGTG  
GTCAAGCTTCTTCAGTCATAGGTGCTCCCTGGCTGCCATTCTTTCCTCTCCTCTAAAGTTGCTAATGCCAAGTC  
CTGTAGGCATGGCAGTGATGACTGCTGGAATGTACAGCATGAGTAGATACGCGACTGACATTGGTGTTCTGAA  
CTGATGTGATTAAGGTGGCAGTGGAGGACTTGCCTCTTAATCTCGAGTCTTTCAGCAGCGAAGAAGAAGATG  
AAGATGATGATGATGATGATGAAGAAGAAGAACCACCACTAAAAAAGGAAGATTCTAAATGCTTGTGC  
CCAGGTGATTTCAACTCCATTTTCTGGTAGATGAAGCTGCTTCATCAAAATTAATTGATTCTGCGCCAGGTATA  
CAAAATAGCAACATTACAGTTCATCCTCAACTCCAAATTGCTCATCTTCTTCTGTTTTAGGTATGCCTTGTG  
GTTGCACACTGTTATTTATCCTGTATGAAATTGGTGTGTGGACTAGCCTGATCATTAAATATTTGGTAGTTGGT  
CAGCTACATTACT

>trans\_c\_1430 NM\_126335|Arabidopsis thaliana APK2B (PROTEIN KINASE 2B); ATP binding / kinase/ protein kinase/ protein serine/threonine kinase (APK2B) mRNA, complete cds

AGTGAAAGTTTACTTGGTGAGGGAGGATTTGGATGCGTCTTTAAAGGATGGATCGATGAGCACTCTTATCTTC  
CTACTAAACCTGGAACCTGGAATTGTAGTAGCTGTCAAGAACTCAAGCGAGAGAGCCTTCAAGGCTACAAAG  
AATGGCTTGCGGAAGTGAATTATCTGGGCCAGCTTCGCCATGAAAATCTCGTCAGGCTCATTGGTTATTGCTC  
AGAATCTGATAACAGACTTCTAGTTTATGAGTATATGTCAAAGGGAAGTCTGGAAAATCACTTGTTAGAAAA  
GGTGTTACACCTATTTCTTGGCGTGTTGAATGGATATTGCAGTTGACGTGGCACGGGGATTGGCTTCTTACA  
CAGATCTCGACCTAATGTTATCTACCGTGATTGGAAGGCTTCCAACATTCTGCTTGACTCAGAATTCATGCGA  
AACTCTCAGATTTTGGCTTACCAAGAGAAGGGCCTACAGGAGACAAGACTCATGTTTCAACCAGGGTGATGG  
GAACTCGAGGCTATGCTGCCCTGAATATGTAGCAACAGGTCATTGACTCCTAAGAGTGACGTATACAGCTT  
TGGTGTTGTTTTACTGGAATTCTCTCAGGCAAGCGTGCATTAGACCAAGAGAAAAGTTGGTAGAGTTTGAAGA  
GACCCTTGTAGATTGGGGCAAACCACTCCTAAGCGATGGTAAGCGAATGTTGAGGATCATGGATACAAGGAT  
GGGCGGTCAATATTCAAGAAAAGAAGCACAAGCTGCAGCTTCGCTTGCACTGAATTGTCTTCATACGGATCCA  
AAAAAACAGGCCATCTATGGCCGAAGTTCTCGACGAATTGGAACGACTACATGCTGCAAAGGATGTTTTGGG  
GACCCCAAATGCTCATGCCATCAGACGAACTCCACCTAGATTTTAATCATAATTTGTCTCGAATTGTTTCACTTG  
TCATCAAATGCACGTCTTACCTACTACACAAGATGTGCGCTGTACAAGTTTTGTGGATATTTCAAGTAGAATGT  
ACACCCTAGGAAATGTATGCAACACAGTTACATTTATATATAGACCTTTGTGAGTCTCCACAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1431 NM\_100723|Arabidopsis thaliana plastocyanin-like domain-containing protein (AT1G08500) mRNA, complete cds

[illegible]

ACCGCCGGTAAACCTTCGGCCTCGGCGATTTTCTAATTTTAAACACGGACAACAATCACTCGGTTGTGCAAAC  
ATACAATTTACCCACATACAACTTTGCGACTACGACGACGCCAGAAAACGACACGACGGAATGGTCCGCC  
GCCGATCCATCAGCAACCACTCCCTACGCCGTGATGGTGGCTGTCCCCTTGGTTAAAGAAGGCCCACTATTT  
CTTCTCTGGCAACTACGACGGAGAGCAATGCCAGAATGGGCAACAATTCAAAATAAACGTCACTCATGGACA  
GGGCCTCCCTAAAAGCATGGGAGATCCTTCGGACGAAGCTCCGGCTCCGGTAGTTCGACACCGGCGATCA  
AACCGAAGCTGCACCCGACACCATTGTCCCTTCAGCTTCGACAATCCTCGAAACGATGTCGCCGATAACGAT  
AAGGAATCTTCGAGCTCCAATTCTATATCGCTTGTTTATTGCTTCAAGTTTAATGAGTTCTTCTTCTTGTAAATTG  
GTATTGCCTCTGCCTGCTTTTTGTCTCTGTATTGAGTGATTTGTTTTAATTTATTACTATATTTATTTTTATTT  
AATTGTTACGTTCTTCAATATTCAAATAATGTGGGGTTTTCTTTTTCTTGGTGTTCAAGCAATACATATACTATA  
TATAGTTAGCTCGTAGGTTTTATTTAGGGGTTTTCTACTTTTTGTGCATTTATATACAACATTATACATGTAA  
TAATGGATTGATATAATTGATAGTGATTTGATGTTTTTCTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1432 NM\_105587|Arabidopsis thaliana kinase (AT1G69200) mRNA, complete cds

CCTTTAAGAATGTGAACAATGTTTCAGACTCGATCAGTTCAGTTGACAGTAAGCGGACAACAGCTGTGTCGCA  
GATGAAAATTGGCAAGAGGGGTCTGAAGACGACTTGTGTTAAATCTAGTGCAAAAGATTCTTTATCAAAGTC  
AGAGATAAACATAGATGTGTTAAAGGAGGCTAAAATGTTCTACTTCGGCACACATTCCTCCTTGATCCGAAT  
ATGAGATCAACTTCAATGAAAGCCATTAATAATCGCTAGAAAGTTGGGGAGCGTTATTTTTACGATTTGAACCT  
TCCTTTACCTCTTTGGCACTCTCGTGATGAAACAAAAGAGTTCATACAACAAGTGGAATCTTGCAGATATTA  
TTGAGGTCACGAAGCGAGAGCTCGAGTCCCTTTGTGGGATCCAGCCATCAGAGGAATTTGACACCAGAAACA  
ATGATAGTTCAAAATTTGTCCACTATGAACCAGAAGTTATTAAGCCACTTTGGCATAGAAATCTCAAGGTCTTG  
TTTGTGACTAACGGAACCTCTAAAATACACTACTATACAGAGGAGCATGATGGCGCTATTCTTGAATGGAAG  
ATGCCCCACTTACCCCTTTCACTTCTGATATGTCAGCGTCAGGAGACGGCATTGTAGCAGCTCTAATGAGAATG  
TTATCAGTTCAGCCCCATCTGGTACTGATAAGGGATACTTAGAACGCTCAATAAAGTATGCAATCAACTGTGG  
CGTAATTGACCAATGGTTACTTGACGAACACGTGGCTATCCTCAAATGATGAAACAGAGGAAGTGACTGCT  
GACGAAAATGGCATAACGGTCTATAACAGAAGAGGAATTCGCACGGTTGCTGCTGTAAGTTAACTTTATTGGT  
AGTACTGCCGGATGTAGATTATTTGTTTGTGTATGCCACAGAACAGAGATTCCATTTCTTGGCCTCAACTGC  
TACGAGAAAATAAGTGTTTTCCCCCATTTGACATAGCTATGATGTGGTGGCTTTATTGCAATAGAAATTTTTTTA  
GTGTAGTCTTGACCTTGCTTAACAAGAGACTCCAATCTCGGTTGCACTGTGCGAATTATTTCTTTCTTATAC  
CGAAGGATTG

>trans\_c\_1433 AY819698|Vernicia fordii NADH:cytochrome b5 reductase (CBR1B) mRNA, complete cds

ATTCATTATTCCGTATTTCCCTTTCTTCTTTTCGGCTGCATCCGCATCTCCCGAGTACGGCAACCATTGAAGCTT  
TGTGATCCAATTCCTCTTTTTTCTACCCAAATGCCGACGAGTTTCAGGCCTGAGCTTCTCACCATCACCGTCGC  
TGTGGTTGCTGTGCGCGTTGCCACTGCCTACTATTTCTACGTCGCCAAGAAATCCAAATCCAAAGGTTGCTTGG  
ACCCTGATAACTTCAAGGAATTTAAACTAGTTAAACGCACACAGCTTAGCCACAATGTAGCAAAGTTCAGATTC  
TCTCTCCGACTCCAACCTCAATCTTGGGGCTGCCGATTGGGCAGCATATGAGCTGCAGAGGAAAAGATAGCC  
AAGGTGAAGATGTTGTGAAACCTTACACCCCAACCACTTTGGACACAGATGTTGGATACTTTGAGTTGGTCAT  
TAAGATGTATCCACAAGGAAGGATGTCCCACTTTCTGTGAGATGCGTGAAGGTGGTTACTTGGCTGTGAAA  
GGTCCAAAGGGACGATTCAAGTATGAACCTAATGAAGTAGAGGCCTTTGGAATGCTTGCTGGAGGCACAGGC  
ATAACTCTATGTTCCAGGTTGCAAGAGCAATACTAGAAAATCCAGTGGATCGCACCAACGTGCATCTTATCTA  
TGCTAATGTTACTTATGAAGACATTCTTCTGAAGGAAGAACTGGATAGTCTTGCAACTACGTTCCCTACCCGTT  
TTTCTATCTACTATGTCCTCAATCAGCCTCCAGAAGAATGGGATGGTGGTGTGGCTTTGTAAGTGAAGGAAAT  
GATACGGCTGCACTGTCCTGCGCCATCCCCGAATGTCCGGATTTTGAGGTGCGGACCACCACCCATGAACAAA

GCTATGGCAGCTTACCTCAACACTATTGGCTACACTTCCCAAATGCAAGTTCAGTTCTAATAATCCAAATTATCC  
AATCCCATTATTTACTCTTTTTACTTTATTTACCCATTTAATTCAATTCATCCAATCTCATGAAATTAAAATGTAT  
ACCCATCCAAACGAAGAACCACATTAATAAAATGGAGTATATCAATGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_1434 HM208130|Solanum lycopersicum LysM receptor-like kinase (Bti9) mRNA, complete  
cds

CTGCTGTTACTGGTATTACAGTTGACAAATCAGTGGAATTCTCATATGAAGAACTTGCCAAGGCCACGGACAA  
CTTTAGCTTGGCTAACAAAATCGGTGAAGGTGGATTTGGATCAGTTTACTATGCAGAACTCAGAGGAGAGAA  
GGCTGCAATAAAGAAGATGGATATGCAAGCTACAAGGGAGTTCCTTGCGGAAATTAAGGTTCTAACACGTGT  
TCACCACTTGAACCTGGTGCGCTTGATAGGATATTGTGTTGAGAATTCTCTATTCCTAGTCTATGAGTACATTG  
AGAATGGCAACTTAAGCCAACATTTACGAGGCACAGGTCGAGATCCGTTGCCATGGCCTTCGAGGGTCCAAA  
TAGCCCTAGATTAGCTAGGGGCCTTGAGTATATCCATGAGCACACTGTTCTGTTTATATTATCATCGTGATATT  
AAATCCGCCAACATATTGATTGACAAAACTTTTCATGGAAAGGTTGCAGACTTTGGGTTAACCAAGTTAACTG  
AAGTTGAAAATTCTTCGCTTCTACACGTCTTGTTGGGCACATTTGGATATATGCCACCTGAATATGCGCAATAT  
GGAGATGTTTCTCAAAGATCGACGTATATGCTTTCGGTGTCGTTCTTTATGAGCTTATTCAGCCAAGGAAGC  
TGTGGTCAAGACAAACAAAATGAGCGCAATCAATGAATCAAAGGCCTTGTTGCTTTGTTTGAAGATGTCCT  
GAATCAACCCGACGCAAAAGAGAACCTTTACAACTAGTCGACCCAAGACTTGAAGAGAACTACCCTCTCGAT  
TCGGTTTTCAAGATGGCTCAGCTTGCGAAGGCTTGACACATGAGAATCCACAGCTACGGCCAAGCATGAGAT  
CAATTGTGGTTGCTCTCATGACACTTTCTTCTGCAACAGAGGATTGGGACGTCGGCTCTTTCTACGAAAACCAA  
GCTCTTGTAAGTTGATGTCTGGAAGGTAGACATAGAGTCGAACACCACGATTATCGAGGTCGCTGCCCTGTC  
CAATTGAAGGGTTTGTGTACCGTGTAACCTCTTATTGTTGGTGTATAATATGAAAGACAATTCTTCCTTTCTAAA  
CAAACGTTTTTGTA

>trans\_c\_1435 NM\_118944|Arabidopsis thaliana TET7 (TETRASPANIN7) (TET7) mRNA, complete cds

TGAAAGATTTTCTCCCCTCATTTTACTTCACCACTCCAAATCTTTCACAATGCCTCGAATCAGCAACAACCTCGTT  
GGAATCCTCAACTTCGTCACCTTCTTACTCTCGATCCCAATTCTCTGGGCCGGCGTTTGGCTCAGCAACAAGG  
AAGCACCGAATGTGATAAGTATTTAGACAAACCCATTATCATCATCGGCGTTTTTCTTGTGTTGTTTCTCTCGC  
CGGTCTTCTCGGTGCTTGCTGTGCAATCTCATGGCTTTTATGGGTCTACCTTCTTGTATGTTTGTCTTATTGTT  
ATTCTCTTTGCTTTCACCATTTTTCGCTTTTGTCTGCTACTAACAAAGGCGCCGGTGAGGTCTGTCTAATCGGGGT  
TATAAGGAGTATAGGCTTGGGGATTACTCTGGTTGGTTGCAGAAGAGAGTGAACAATAATAAAAATTGGAAT  
AAAATCAAGAGCTGCTTGATTGATGGGAAGATCTGTTCTACCTTTGCTGATAAGTATATTAAGGATACTGTTGA  
ACAGTTTTATCAGGAGAATTTGTCTGCTCTTCAGTCGGGTGCTGTAAACCTTCCAATGACTGCAATTTCACTTA  
TGTGAGCCCAGTTGTCTGGAACAGGACTGCTACAACTCGCCCAACCCGACTGTAATTTGTGGGAAAATGAT  
CCCAATGTTCTGTGCTTCAATTGCCAGGCTTGCAAGGCTGGGTTGCTTGATAATATTAAGAGCAACTGGAAGA  
AGGTTGCTGTTGTGAACATTGTATTTCTCGTCTTTCTCATTATCGTCTACTCGGTTGGCTGCTGTGCTTTCCGGA  
ACAACAGAGAGGACCATGCTTATCAACGGCAATGGAAGTGATCTCAAGCCATAGTTCTGTAAGCATTCTCGTT  
GTTTAGTTTGCCCTTTTCTCGAATTCCCCTCGATGTATATTGTTTTTCTCCCCTCCCTTTTGGAGGTCGTGATTTT  
GTTTGTTTGACTTTGATCTGCTGTTTTCTTGGAGATATGATGATTTGTAGTGTTGACATTGATTGTCTCTCTCT  
GTTCTTCCATTTTGTGAATGTTGGTTAGATTCTGGTTAGTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1436 XM\_002881686|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata bZIP transcription factor family  
protein, mRNA

AAAAACAAAGCACGAGAACAATGGATTGGATGAACATGAGCTACTTTGATTTACCCATCAACAACAAGAAG  
AACAACAACGACAACAAGGGAACAATATAATCAGCAGATTCTCTCTTTCTGTAAGAGGAAGCCTTTCAATCCA  
TGGAACCTCCCAATCCCACCAATCAAATGGCTTCCTCTCCNAACCCCACTCCCCATTTGCGGGTTCCTTCCAC  
CGTCGAGCTCATTCCGAGGTCCATTTCCGCATTCTGACGATCTCGATCTAGTCTCCGACCCTTTCGACGCCCCCT  
TCTTCTGGATTTGAAGATCTGGGCTTTGAGGATGATCTCTTGTGTACTTTTCATGGACATCGAGAAGATCGGATC  
TAAAATCGAAAATGGGTCTTCGTCAAATCCTGCAATGGCTGCCGGTGGTACTGGGGGGGTGAATGTTGAAGG  
GGAGAAAATCTCCCGCCCCAGGCACCGTCATAGCAATTCTGCTGATGGGTCTTCCATTTTGGAGTCTATTGAG  
GCTAAGAAGGCCATGGATCCTGATAAGCTCGCTGAGTTGTGGACTATTGATCCTAACGTCGCAAGAGGATTT  
TGGCAAATAGACAGTCTGCTGCTCGGTCAAAAGAGAGGAAAGCTCGCTACATAATGGAACCTGAGAGAAAAG  
TTCAAAGCCTTCAGACCGAAGCGACAACCTCTCTGACAGCTCACATTGTATCAGAGAGATACCACTGGGCTT  
TCAACCGAAAACTCAGAGCTCAAACCTCGTTTACAAGCTATGGAACAGCAAGCTCATTTACGCGATGCTCTAA  
ATGAAGCTTTGAAAAAGAAGTTGAGCGGCTCAAGATTGCGACGGGAGAAGTAATGACAGCTACCGATTCTGT  
ATAACTTCGGAATGCCCCAAGTTTCATATCCCAATCTTGCTTTTACACCAACCACAACCTGGGCAACACAAC  
CCACAGAGGATGACGACGCAAGACCCCAAGTTCAACCATTCCATTCTAATTTACCAAACCCACATCAGGCTTT  
GTTTGTTGCATCGCACCAGCCTCATGCCTTAACAGAAATGTTTCAGCAGGATCCTATTACCCGATTGCAGGGTC  
TCGATATTGGTAGC

>trans\_c\_1437 XM\_002864979|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

ACGTTCTGATCATATAATTTGGATATGTTTGGAGCTCAGATTCTTGAAATGGTGGCGAAATCATGTCAACATCT  
TCTCTCTTTCTCTCTCTTTGAATCTTCCGTTTCCTTTTTATGCTTATCTTTGCCAAAAGTAACGAATTCAAC  
TCGTGAATTTCTCGTTTTTCAACGCCGCAAACCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAAATTGATAT  
ACGGCTACAATGGATTCCGGCTGTTGTGTGGTCGGTAGAGATGGAGTTGGAACCGGAGATTGATCGATTGCCG  
ATTGACCTATTGGCTCATATTTTGTATGATCACCTCCTTACCAGATTGGCTCAGGCGTGCGGCGTATGTAG  
AAAATGGAAGGAAGGAGTTAAATTGTCTCTCGGTAGGAGGAAGAGTTTGAGCTTTGCTGTTTGAAGATGG  
ACGATAATTCCACTGCTCGCCTTATTCGCCATGCCTACAGTCTTCGGGAGCTCGACATCTCAAGGAGCCGTTGG  
GGTTGCCAAATAACAGACCATGGATTATATGAAATCTCTTGCAAAGTGCATTCCCAACCTCAAGTCCATTTC  
GCTTTGGGGTATGGCAGGGATCACCGACAAGGGTGTGTGCAACTGATTTCCAGAGCCAACCTTTACAAAAC  
TTGAATATTGGTGAACCTTTGTCACAGACGTATCTCTATATGCAATTGCAGATAGCTGCCAAATTTGAAGAC  
CATTGTCTTTGGAGCTGTCGCCATGTAACAAAGACCGGACTTCTTATTCTTGTAAAGTAAATGCCGAAAACTCG  
AGTCAATAAATGTTTGGGGAATGAGGGTTCCTGTAGACTGCTTCATTGGTTTGGTTGCGATAAGTCCATCCCTT  
CAAATAAAATCAAGAAGTCTGCTTAATTCTATGTGGCCTGTTGTGTGAAAATATGCTATTAAATATTCTTCAT  
ATGTCCTGTAAAGCTTCTATTGTATGTATATGTCTTCATCTTTGTGTTTTCTTCATTAAAGTAAATATTAGAT  
TTGTTATCATTCCCCAATAAAGCTGATTGTGTTACGTTTACATCATTTAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_1438 AY062738|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AAGCGCCGAATTTGGAGCTAAAAACGCACGGCGTCGGTCTTCTGTGTAGAGTGCGGAACTCAGGCAGTGTG  
TCTCAGTTTTGGAGGTTATAGCGGCGGGGTCTTTTGTCTGTTCCGCGGCAGCGTAGAAGTCGAGTTTGTTATT  
CTCTTTCAAGAGAGTTTTACTTACAAGGCGGTGCCATGGTAAAGAACGACGGAGAAGAAGGGGGCGAACT  
TGCACAACCTCATGCTCGACATATAAAGAAGAGAGCTCTCAAGAACAAAGCACTTTCTGTCTCTTTCAATGAAA  
AAGACTTGAGGGACTATGTAAGTGGATTTACAAGAGGAAGAAGAAAAGGAGGAAGGAAGCAGAGAAGCA  
AAAAGAGGAAGCTATGCGGCGGATGCGCATCGAAGCACGAAAAAGAGAAAATTAGAAAAGGATCTCGTGC  
TATATGGTGGTGTCTACCACTGACCGGGCAGTTGATGATCAGAATGATGATCAAGAGGATGAGGAAGAGG  
AGCCATTAGCACCATTTCTGAGGCAAGAACGTATGACAACGGAAATGTCAAAGTAACTGTGACAACAAGTG

AGGTATCTCGGGAGGGCGAAATTGATCCAATTGACAAGCCACAGACAGCAATAGCTCAGTTGCTTGGAACG  
ATAAGAAGCATAACCTGCCAATTACCAAAAAGAAGCTATTCAAGAAAGTAGCAAAACAGAGGTCAAGGCCAA  
AGCTTCGAAGTAAAAGAGACAAAAAGAAAGGAAGGAAAAAGAAATAGATAATTATACTAAGCTTCTTACTTA  
CTATTTGCTAAATGTTCAATGCGATACGATTTATTTGTTTTCTAATGAGAATACGGAGTGATCTTGAGCATTGG  
GTGTCTTTGAGGGTTTTGTATTATTACATTAAAAAAGCTTACCCGTTTTGCAAACTGAAAGTGCAATTTTTCTTT  
TTATGTGCAGCTCAAATTGTTTTATTTCAGCATTCTAGAAAGAAAAACACAGATCATCTATGTATAGAAAAAT  
TATCGTATTGCTTTACAAGAATGTACACGTTTGATGATTTATATATGTTTCGAATAACTAATTAGTTTTCGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1439 NM\_113232|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT3G23300) mRNA, complete cds

CAAAAACCCCTAACAAATGATTGTTATCTGCAAAGAGAACCTGGTACCCGCCCTCCACTTTGCCGATCTGATGA  
TGATCCCGATGCTGTTTGGGGTGTGCAGATGGAAGCTTGTATCACTCCTTACTCTGACCATGATCATAAAGCCA  
AAGGCAGTGGATTAGCTCCTTGCCAGCTCGATTAACCTCACCTCCACGACTTCAAGATTTTGGCTATTCA  
AATGAAATGTTTGAAAAAGACACGGAAATTTGGCGGCGTAGAGTTGAAAGTTACTGGAATCTTCTGAGTCCA  
AAGATTGAAGCGGATACTATTAGGAACGTGATGGACATGAAGGCTAATATGGGATCATTCGGAGCTGCTCTG  
AAGGACAAGGATGTGTGGGTGATGAATGTTGTTCCAGAAGATGGACCTAACACACTGAAATTGATATATGAT  
CGGGGCCTCATAGGCACTACTAATACTGGTGCGAAGCCTTCTCAACATATCCTCGTACATACGATCTGCTTCA  
CGCATGGACTGTCTTTCCGACATCGAGAAGAAAGAATGCAGCTCTGAGGACCTGTTGCTCGAGATGGATCGC  
ATGCTCAGACCCACAGGTTTCATCATTATCAGGGACAAACAATCTGTCTGATGTTTGATAAAGAAGTATCTACC  
TGCATTGCACTGGGAAGCAGTAGCTACCGTGGATGCCAGCTCGGATTGAGAATTGGATGGCGATGAAGCCAT  
ATTCATTGTTCAAAGAACTGTGGCTGACAAGTGAGAGTGTGAGGGATTCAGAATAAGACCAAAAAGAGCT  
GTCTTCTTACAAGTCCCTGTTGCTGTAAATTTCCGATGCCCATCGCCGCTAGAGGGATCAGATCAGCAAG  
AACGAGCAGCAGCGATGCCAGTAAAAAAGGTTCTTCTGGTCAATTAGGGAGATATTTTCAAATTTCTATTTAT  
TTACCTCAGGGGAATGCTTTTGATTTGATAGTATCTATAGACGATGGATATTCTTCAACAATTTTTTCCCTCTTT  
TGTTGGCTCTGTCTTTACTTAAAAGTTATTTGATTATTGATTCAAGAATGGAAGATTTGGGCTGAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1440 NM\_001185430|Oryza sativa Japonica Group Os01g0388566 (Os01g0388566)  
mRNA, complete cds

ATATCAAGACAACCTCAGGAAGATTGACTCTCTACCAGACTACTCTTTGTGAAAAGATCTCATGGGACAAGTT  
GAATACAAACATGGTTCTTGATCCTGGAGGTTATCTGAGTCCATATAATCAGGATGATATTCAGTTAATTTGTT  
GTCAAGCTGATGCAAGTGTCTGTGGCTTGTCCCTGATGTGGTTCAATCTGGATTCATTATTCCCTTGATCGG  
AAACAAGATATAATCATTTCTTTCACTTGGATACTCACCAGGGACAGACCAAAAGGGAAAGAAGTTGTAAAT  
ATGACCGAGTTATTGAACCTCGAGATCTTCTAATCAATCTGATGTCCAGAAAGTTCTGAATGGATCGATGAAT  
GGCTTTCCGGATAAAAAATGTTTACCAAAGATATTTTCGTGTACAGGCTCTGGTGAAAGTTAGACCTCTAGAAC  
AAGAGGAAAGTTTCGTCAAGTGTGATCTCATCTTGAACCGTAATAACTACGAATGGTGGCCCTTCCATGACAT  
CCAGCCAATAAACGTCAGCGAATGTGGACGTTTCACTGGACCAGTAGCCTTTGTAATCTCTGAGGAAATACCA  
CCTCAGGGCATTCTGGGTGACACTCTCAGCAAGTTCAGCATCTGGGGACTTTACATAACCTTTGTTCTAGCAGT  
GGGCCGTTTTATAAGACTTCAATGCTCTGACTTGAGAATGAGAATTCCTACGAGAATCTTCTTCTTGAGACA  
GGTTGATTGCCATTTGTGAAGACATATGCTGCTAGAGCTGAGGGCGAGCTTGGGGTTGAAGAGGTCTTAT  
ACTGGACACTTGTGAAAATCTACAGGTCTCCACACATGCTGCTTGAATATACCAAAATAGATTAGACAGCAAA  
GTTCAAACAAACATTTACCAGATACCTAGATTGCGGTTATTGAACACGAAACCTAGATATGAGTACGTATACA  
ACTAACACCAATTATAGTAAAAGCCTACCTCGTGGTGATCGGCTCATTCTTGAGCACATGGTATGTTCCATAT



AATTC AATCACAAGCTTCTGTTCTTGCTCTGTTAATGAACATTTCTGGGTAGACCCAATTTATAATTTCTTCTCAA  
ACTGGAAAATCATCGCCACCATCATGAATCGGAAGTGGGGTTCGGCAGCGATT CAGGGATTCTCTCACA AATC

TCGATTCGTTTGAACGATGTGGGGTTTGATTTGAATAAACCCACATCGGAAATCCTCTCGTTTTCGTTCATCAA  
CCGGTGTTCGAATTGCTTCGTGTTCAACACAGAGCGTTTGCGAAGTTGCTTCTGGAAATTGACTACCCAGTTC  
GGAAACACGAGGGTCCATCAGGGGATGAGTTTCTCAAATACTCATTGAAATTGCTTGATCTTTTGAATTGATT  
AGTTCGTGTATTGCTCATCTGGGACAAGCTCGGTTGAAGCTTTCTCATGCTTTGAGCTTGGTGGAGGCTTCTCC  
TTCCTCTGCTCTTGATCGTTTAAAGCCTATAGGAACAAGCAGTTTCAGCAAGGAGCCGATTAAGGAAGGTGAA  
AATGGAGAGATTTGTGTGGAAGTTGAGAAATCTGAGAAAGAATTAGTGGTTCATCGTGCTTTGATGATTATGA  
AACAGATTGGTTTGTGGGTTTGTGGGATTGTGATTTCTGGATTGAGTGGAGATGCTGAAGCATTGATGAAAT  
GAGAAAATCATATGAGGAATTTGGGGTTTCTGGTTAGATAGATTGGATTTTATTGTTCAATAAGCAATTTGTG  
AATCTGGGGTGATGTTGAAGGAAATTAAGAGGTGAATGATGCAGTTGAGCTTCTTGTGCTCCACGGCGG  
CTGGGAAAAGCAGTGATGCAGCTGAAAATTTGCATAAAAGATTAGAGGTTCTTGAGAAGGAGACAGATGATT  
TGAGGAAGGAAGTTGATTCTCTATTCTCTGATGTTTTGGAAGAGAGAACCAACTGCTTGATTGCATAAGACT  
GAGAAATCAATAGCCATGGTTGGACTGTTGTTTCTACTTTTTTTTTTTTAAACATATTGAATTGTGATTATGAGT  
TATAATGTATAAACTTCACTGTTGAACTGCAAATATAAATAAAACAAGTTTACGATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_1444 XM\_002889463|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L23, mRNA

CTCTCAGTTTCTCGTTTGTAGCCGGCAAAAATGTCGAAGCGAGGGCGCGGAGGATCTGCTGGTAACAAGTTCAG  
GATGTCACTGGGTCTGCCGGTGGCGGCGACGGTGAATTGTCCGACAATACTGGAGCCAAGAACTTGTACAT  
CATCTCAGTTAAGGGTATCAAGGGGCGTTTGAACAGATTGCCATCGGCTTGTGTGGGAGATATGGTGATGGC  
CACTGTCAAAAAGGGTAAGCCCGATCTCAGGAAGAAGGTCCTTCTGCTGTCATTGTTAGGCAGCGCAAGCCA  
TGGCGGCGAAAGGATGGGGTTTTTCATGTACTTCGAAGATAATGCAGGAGTGATTGTGAACCCTAAAGGTGAA  
ATGAAGGGTTCCGCAATTACTGGTCCTATTGGAAAGGAGTGTGCAGATTTGTGGCCTAGGATCGCCAGTGCA  
GCCAATGCTATTGCTTAGTGTTACTCTAGAGCTCAAATCTTCTCCATTCTGTGGTTACAGCAGCTCATCATTTTT  
GATATCCCAATGTTATAGTACTAATTTATTACCTCTTTTGATTGAGTGATTTGATGCAATATTTTCGAGACTATG  
AATTAGATTTTGTGTTGAAGGAATTTTCTCATTATTACACCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCC  
CCCGCCCCCAAACTTTATCAAACCCCCCAACCCCGGGGGGGGCCCCGGACCCCATTTCCCCCTAAAGGGA  
GCCAATTACCCCCCCCCCGGGCGCCTTTTACAACCCCGGGACGGGAAAAACCCGGGGGTTCCCCAATTT  
AACCCCTTGCACCAAACCCCTTTTCCCAGTGGGGGAAAAACCAAAAAGCCCCCCCCCAATCCCTTTCCCA  
ACATTTGCCACCCCTGAAGGGCAAAGGGAACCCCTTGTAGCGCCCTTAACCGCGCGGGGGGGGGGGT  
TACCCCAAGGGTGCCCGCTACATTGCCAGCGCCTTACCCCCCTCCTTCGTTTTCTTCCTTTCTTTCTCCCC  
ACTTCGCCGGTTTTT

>trans\_c\_1445 AF387795|Cucumis melo transcription factor (EIN3) mRNA, partial cds

CTCTACCGACGTCTAACGAAGTTAAACCAGTTATCTTCCCTCAGTCGTTTGCCCCGCCAAGTCAAATGCACCC  
CCGGTCAGCTCAGTTCCGTGTCATCTTTGACCTGTCCACTTTAGGCGTTCCAGAAGATGGCCAAAAGTTGATCAG  
TGAGCTCATGTGATCTACGACACCAACATCCAAGGAAACAAGAACAATTAACACTGGTAACAGTGCCACC  
ACAGAGAACCAAAATCTCCCTCAATTAAGATCCAACCTCAACAAGATGATTACTTCCGCAATCAAGGTCTAAT  
GATGGAGGGAACTTCTTCGATGGCTCAAATGTTTCGAGCAGCCATCAAATGTTCAAGAGATGAAGGTCA  
ATTGACCGGATTTAAGCCAATGAATTCGCCTTTCGAAAACAACCACCATCATCACAACAATAATAACAACAACT  
TCCACTTGATGTTTAGCTCTCCATTGATTTGTGACCTTCGACTACAAAGAAGAAGTACCCGGCGTAGCAGCC  
ATCGACACACTGTGAAACAGCAGGATATTCCATTATGGTATCATTAAAGCCTGCTCTCACTCCCATGCTTTATC  
GACGTATTCTTTCCGTCAAAGCATCAGCAGCAACATCAGCTGCAGCAGTGAAATTCATAGCAGTTCTTTTAC  
AGTTCGAGTATCTCTCTCTCTCATGGGGTTTGCCTTTTGCTTTTACTAGGAACCAAGTCAAAGTTACCTTTT

GGGGTTTGCCTAACTTGGTGCTATGTTATCTGAAAAGAAATGTTTGGTGTTACATCCTACTTGGTCATTCAAAC  
AAATGGATGGATAATGTCATTTTAGCTTGTAGAATATATCTTTAAGGTCATCATGTAATGTAAGTCTTTAAGTTT  
CTCCAATAGACTGATAAATAAGTGGAGAGAATCCTTTTAGTACTCTACTTACTCTGCCCTGTTGGTGATTATAT  
ATCCAAATGATTGTCTATATGAAATAACTATTTCAACAATCTTACATTTCTTTATGTCATCCTCTTCATTTTAGT  
GGTTGCAAAGTGAAAGTTAATAGAACTTAAAGTTGTTGGAGGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1446 NM\_001036050|Arabidopsis thaliana TOM2A (TOBAMOVIRUS MULTIPLICATION  
2A); protein binding (TOM2A) mRNA, complete cds

AAATTCCATTTTCTTTTTCTCTCTCTCATTTCAGGTCCGCAAAAGCGAGCAATCCGATAATCATCTTCTCTC  
AATTTGGATCGGAAGTACATATAAGATGGCCTGCAGAGGGTGCTTTGAGTGCCTATTGAAGCTTTTGAATTC  
TTCTTATCTCTGCTGGGTCTTGCCATGGTGGGCTATGGGATTTACTTGTGGTTGAGTACTTGCAATCTTCTAGT  
GATGTTCCAGGACCTTCCTTGAGTGGTGATCATGATCTGGTCCAGCTTGGTCGACCAATGCTAATGGCCGTGT  
CTCTGTCTTCTAACATCTTTGATAACCTTCCAAAAGCCTGGTTCATATATTTGTTTCATTGCTACGGGAGTCATTG  
TCTTTGTTGTCTCTTGTGTTTGGCTGTATTGGAGCTGCAACACGTAGTGGATGCTGTTAAGTTGTTATTCGATTT  
TATTGCTTCTACTGATTTTGGTGCAACTAGGATGTGCTGCCTTCATATTCTTTGACAAAAATTGGAGAGATGAA  
ATTCTGGGGACAAAACAGGAACTTTGATAAGATCTATGAACTTCTGGAGAACAAGTGGAAAATCATCAGAT  
GGGTTGCATTAGGAACTATAATTTTTGAGGCTCTCCTTTCTTGTGGCTCTTGTGGTTCGTGCAGCAAACAGA  
CCTGTAGACTATGACAGTGATGATGAGTACATTGCTCCAAGGCAACAAATCCGACAACCGTTGATCAATAGGC  
CCGTTGCTCCAGCAACTGGTGTGCCTGTTGCTGGGACACTTGATCAACGACCAAGTCGAAATGATGCTTGGAG  
TGCACGAATGAGGGAAAAAGTATGGGCTGGATACTTCGGAGTTCACGTACAACCCATCCGAGTCTCACAGTTT  
CAGCAAGTTGCTCCTCAGGCAGCCGAAGAAAAGAGCCGCTGCACCATCATGTGATAGAAGTATGCTTTGTACT  
ATTTGTTTCTCACTCCACTGTGGTGTGTTTAGCGGGTCCAAATGCTTGTGCCCCGCTTGTGTTCACTTGTGTATAAC  
CAAGAGGTTTTTCCAGAGGCTTTACTTGTGTAACTGAACTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1447 AB026439|Nicotiana tabacum mRNA for Ntdin, complete cds

AATCATTCGCCCCCGATCACCTCCCATTATTGTTATTCTTTATATATCTCTTTCCCCATCTTCTTCTTCTTCT  
TTCTCATCAACCCCTCTCAAAACCCACAACCTTCTTTATTTTCTTCAGTTAATTGTATCTTCAATTCTCCTTTGTTTT  
TGTTTGTGTTGTTTGGCCAGCCATGTCGTCTCTCACTTCTTCATCCTCTTCCATTGCTTCTTCCACTTCCCATC  
TCCTCGGCCTTCCCAACACCAATAATAATCTCACTTCAAGAGTGAGGTTGTTGCCGATGATCACCGGTTCTCTTC  
ACCGCCGCCGACAGAGACTCTGCCGTGAGCCATAAACATTGGAGCACCAGTCGGAATGCTGTTCTAAGAGAAG  
AGATGGAAGCGACAGCAGTTCGACGTCCGTGCCAGTTCGTGTAGCTCTCGAGCTTCTTCAAGCCGGGCAGC  
GATACTTAGACGTTAGAACCCCGGAAGAGTTCAGCGTTGGTCATGCTCCGGGCGCCATTAACATACCTTACAT  
GTACAGAGTAGGTTTCCAGGAATGACAAGGAATCCACATTTCTTAGCGGAAGTGCGGATTTATTTAGAAAAGAT  
GATGAAATTATCGTTGGATGCCTAAGTGGAAAGCGGTCTCTTATGGCTGCCGCCGATCTTCTTGCTGCCGGAT  
ACAACTATGTAACGGACATAGCAGGTGGATATGAAGCTTGGTCTCGCAACGGGCTGCCTATGGAATTGTAAA  
TCATCACTTCCAACTTCATATGCTTTCACTGTACAGCTACCAACCACAATTTCTTTAATAAAACCTCCCTCAA  
ATGCTCAAACCAAACCTTGATCAGTGACAAAAGTTTCTTTAAAAGTCATGGATTTGATCTTCTTGTACTAAT  
TAAAACAAAATCTTCCCATAGTCTCCTTTGGTATAGATACTATTGTAATGTCCAGTGGTCTTTTCATCGATCGGT  
CTCTGTAAATCTCAATAAATGCAATTTTATTTTCTGAGTATTTAAATTTCTCATGTTACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1448 NM\_100588|Arabidopsis thaliana SIRANBP; Ran GTPase binding (SIRANBP) mRNA,  
complete cds

ACTCATTTCTTCAGTTCCTCCCTTCCCAATATATAAACCCCTAATTTCTCCCCATTCCGATCCATTATTTCCAATCTCA  
CTTTCCACATTCCCCTACCGAACCCCTAAACCCTCTTTCATGGCGAGCTCCGATACCGAACGCGGAGAAGAGGAG  
GAGGCTCCTGCCGCGGAGGATGAAGACACTGGAGCTCAAGTTGCCCAATCGTCGAGTTGGAGGCGGTCAAC  
GTCACCACCCGTGAAGAAGATGAAGACGCAATTCTCGATCTGAAATCCAACTGTACCGATTTGATAAAGATG  
GAAATCAATGGAAGGAGAGGGGTGCTGGTACTGTAAAGTTTTTGAAACATAAGGAGACTGGCAGGGTTCGCC  
TTGTTATGAGACAGTCTAAAACCCTCAAGATCTGCGCTAACCATCTTGTACTTCCATCAATGACCGTTCAAGAA  
CACGTTGGAAATGAGAAGTCGTGCGTTTGGCATGCGACTGACTTTGCTGATGGTGAATTGAAAGATGAGCTTT  
TTTGATCAGATTCCCATCTATTGATAATTGCAAGACCTTCATGGAAACATTTCAAGAAGTTGCGGAGTCCCAA  
AAGAAGAAAGTGGAGAATAAAGATGCATCAGCTGCAGCTGGTCTACTTGAAAAATTGAGCGTTGAAGATGAA  
AAGAAAGCTGAAGATAAATCTGAAGATAAAGCTGAGGACACACCTGTAAAATCCAAGGAAGAGGATAAACCT  
GAGGGTGAGGCAGGGAAATCAGATGCAGAGAAGAAAGACTAGGAACTTGGTTCTACTGCCAGATACGGGAG  
GATATAGCTCTTCTCTACCGGATACGTCTCATTGTCCTCATGTCTTGTTACATCAAAACACAGTCAATTCTTCGA  
TTGGGTAACTTTTTCTGGGCTGGAAAGTTAAAGAGTCATCTAAATTGTATGTTGTTGTTGGTTGGTTCGTTG  
GGGAGTCAGTTTTCTATTGTTACCTTCTTTTCAATTTGAAATGAGATTGATTTGTAGTCAGTGTGAGATGGTT  
GTGTGGTGATGGGCGTTTGTGAATCCTCGAAAAAGGTCAAATAGCTTTTTTAGAAACCATAAAGTTTGTGTGC  
AGGGCCCGAGCTG

>trans\_c\_1449 NM\_001066268|Oryza sativa Japonica Group Os07g0506000 (Os07g0506000)  
mRNA, complete cds

GAACAAAAGGCCATTGTTATTATAATTCTTATGGCTCCTCTCATGAGAGTCCTACATTGGTCTGTTGGAATTTAT  
GGCAAGCAGTACTTTCTTTTGTCTTGAATCAATCAAGGAATGCTATGAGGCTTTGGTCAGATTTTGATCCT  
GCAGAACTTTTGAAATAGATTGATTTTTTTTTCTTTCTGTAACCTCCTAGTTTTCTTGTAGGTGATATCTAA  
GTTCTTGAGTTTGCTCTACAGCTACTTGAATATATCCATAAGCAAAAACATTGTGCCAGATGAGATCAAAGGTA  
GAGAAATCCACCATACTTTTCCGATGACCCTCTTTCAGCCTCACAGTGCTCGATTGAATCATCACACAATGAAG  
CTTCTCAAGAACTGGACCTATCAATTTGTTGTGATTGCTCCTGTATGTTCCATCTTGATGATTGCTCTTCAACTA  
ATTGATGTATATCCAGACTGGCTCAGTTGGACATTTACTATCATATTAATGTCTCAGTGTGCTTGCATTGTAT  
TCCCTGGTGATCTTCTATCATGTATTTGAAAAGGAGTTGAAACCACATAGCCCTCTCGCAAAGTTCTTGTGCAT  
CAAAGGGATTGTCTTTTCTGCTTTTGGCAGGGAATTGTTCTTGAGATGCTTGCTGCAGTGGGCATAATCAAG  
GCAGAACATGCTTGGTTTGATGTTGAGCACATAAATGAAGCCTTACAAAATACTTTTGTGTGTGGAGATGG  
TTTTCTTTCGATGATTGAGATGTCTGCATATAGTGCTAACCCATACAAATCTAAATCTGAAGCAAAATCTAAAT  
TGGAGAAGAAGGAACAGTGAAATCTCACTTGGTTCGGTAACACGCATCAATTTAGACGAGTACTTAATAATGA  
ATCAGCCATAATGGTAGGTAGATTTGAGCTTCCATCATTTATGTGTGAAATACTGAATTTTACATATTGGAAC  
TTTATTTTGGCTATTACGGCGTTATAGGCAATATTGTTGTGGCATATCCTTAACCAAAATGAGCTTTTTGGTATA  
TAAACTTCTGTCACTTTTGGCTTCTAAAAA

>trans\_c\_1450 XM\_002864678|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata synaptosomal-associated protein  
33 (SNAP33), mRNA

ATCGACATTATTTGATCATTTTTTTTAAATCCAAAAGGTCAATTTAGCGGTTTCATGAGGTCAAGGTTGTCTTCTT  
CATTGTTCAACTTCTTCTTCGCAGTTTATTTGATTTGGGTTTCGTGAAATAGTTCCATTCTTTCGTTTTCTGAA  
CTCTCTCAAGGAAAAACCATTAAGTTATTGGATTACTTTGTTTCATTTACATTAAAGCCAATTTTGACATTCTAG  
CTCTCGGGAAAAATGTTTGGTTCAAAGAAGGTTCAATTTAGGATAGGAAAACATAGTTCTACCCCAAACCTTT  
TGAGTCTGATGATGATGTTAAAGCTAAGCAAAACCTGGTTTCTTCACAAAGAACTTCCTCAGACCCTTCATTAC  
TGACGGAGAAGTTTAGTTCCAATCCTTTTGATGATGATCATGGACATGCCCCCTCATCTTCAAGTTCAATAACTT  
GGTCAGAAAGGAACAAGTACAAGAATGATTTTCGTGACTCAGGAGGAATAGAAAACCAATCGGTACAGGAA

CTGGAGAATTATGCTGTTTATAAAGCTGAGGAGACAACAAAAGCAGTGAATGGCTGTTTAAAGATTGCTGAA  
GAGATAAGGGAAGATGCTACTCAAACCTTTGGTTGCATTACATCACCAGGGTGAGCAAATTACCAGGACTCATA  
TGGTTGCTGCTGACATTGATTACGATCTCAGTCGGGGAGAGAAGCTGCTGGGAAATCTAGGAGGAATGTTCT  
CTAAGACTTGGAAGCCAAAGAAAACCTCGACCAATCTCGGGACCTATTATAAGCTCAGATGAAGTAAGAAGAA  
AGGGCAACCACTTAGAGCAGAAGGAAAGGTTAGGATTGACTCATCATAAGGAGCGGACCAGTACAAAAGCT  
GCATTTGCTGAACCTACCAATGCAATTCAAAAAGTTGAGGTAGAAAAGATGAAGCAAGATGATGCACTATCTG  
ACATGAGCGATATCTTGGTACAGCTGAAGGAAATGGCTGTTGACATGGGTAGTGAAATGGACAGGCAGAAC  
GTTGCTCTGGATCGTGCTTCTGTTTGATGTGAGGTGCTTGGTGACCGAGTTAAGATGCCAACCGACGCGGTCTG  
TCGTTTGCTTGGAAA

>trans\_c\_1451 BT008313|Arabidopsis thaliana At5g48020 gene, complete cds

AAGCCAAAAATTTGGGCAGCAAAAATCACTCGTTGCGCTCTCTCAATCATCTTCTACTTTCTTCCTTCTTTGATG  
GATTTGCCTGTGATCGATTTGGCCTCTTATCTAACGGCCTCATCGGCACTCGCCGCCGGCTCTCCGATCGACTT  
TTCGCCCCAACTCACTTCTCTGTGCGAGTTAGTCAGTCGGACTCTGAAAGAAACCGGCGCACTTCTGGTAAAG  
GATCCGAGATGCTCTGCCGAGGATAACGATCGATTCAATTGATATGATGGAAAGGTTCTTTGAAAAGCCAACTG  
AGTTCAAGCGTCTGCAAGCGAGGCCTCATTTGCATTACCAGTTGGGGTAACGCCAGAAGGAGTGGAATCC  
CAAAAAGCCTGGTAGACGATGAAATGCAGGAAAATATAAGAGCAATGCCCAAGGAATTCCAACCATTATTTCC  
CAAGGGGCCGGATCCCAAGTGCGGATACATGTGGAGAGTGGGTCTCGCCCTTCAAATACCCGATTTAAGGA  
ACTCAATGCTGAGCCGTTATTCTGAGGGTTTTCTGAATGGAAAGATACCATGGATTCTTGGGGTGTCAAG  
ATGATATCTGCCATAGAGGCTGTTGCGGAAATGGCAGCAATTGGGTTTGGCTTGCCAGGGATGCATTCACTT  
CTCTGATGAAGCAGGGACCTCATCTTCTGCTCCAACAGGAAGTGACCTTGATCGTCATGGTGAGGAGGGTAC  
GGTCTTTGCAGGGTATCACTATGATCTGAATTTCTGACGATCCATGGCAGAAGCAGATTTCTGGTCTGTATA  
TTTGGCTGAGAAATGGGCAAAAAGTTGAAGTCAAGGTTCTATTGGGTGTCTTCTCATACAGACTGGGAAACA  
GATTGAATGGTTGACTGCTGGTGACTGCATAGCTGGCATGCATGAAGTAGTTGTCAAAAAAGGACAAGGGA  
TGCAATTAAGCTCGCATCAGAGCAAAATCGCAGCCTCTGGAGAGTCTCTTCAACTTTATTTGCCCATATAGCAT  
CTGACGCCGTCTTGAAGCCTCTTGCCACTTTGCTGAATCTTCACATGCCAACAAGTATCCACCTATGTTGGCA  
GGAGCATATGTTG

>trans\_c\_1452 NM\_001068584|Oryza sativa Japonica Group Os08g0478100 (Os08g0478100)  
mRNA, complete cds

AATTAGCTATAATAAAGCCAAAGGCAAAAGAAACCTTTATTTTTGTATTGAAACGACGTCGGAGATGGTAGTA  
ACCAAAAGGAAAGGAGATCGATTGCCCTCATCTTGTCCGGAGAGAATCGGAGGTTTCATCAAATGCCTGT  
GGCAATTGCAATTGCGGCAGCGCCAAGTTTTCGTCACTTCAAGAACTTAACTCAATACTCGATTATCTTCT  
CACTGGGCGCCATTATCGAGAGAGGAAAGCTATGGTCGCAACAGCCAGTAGCAGTAGCCGAAATGCTGGC  
GCATACACCACCATTAAGAGATTGTAAGATTGAAAAAGAAATCAAGAAAAACAAGTTCATCGCTATCGCTG  
GCCCTGTCTCCAACGAGCAATCTGCCTTCTCTTTCTCTCCAGGTGCGGGATCCGCGAGCTACCCACAATTGC  
TGGGCGTATCAGGTTGGAGATCAATATAGGTCTAATGATGATGGCGAGCCATCTGGTACAGCTGGAAAACCA  
ATTCATTCTGCTATTGTTTCTTCAGGTATTGACAGAGTCATGGTGGTTGTGATCAGGTATTTGGAGGTATCAA  
ACTTGGCACTGGGGGACTAGTCAGGGCTTATGGAGGAGTAGCTTCCGAATGCCTGAAGAGTGCCCAACATG  
TGTTGTGAAATCTAAGGTTCCAATGGGTGTGGAGGTACCATTTGATCTTTAGGGGTCTTGTACCACCAGTTGC  
AATCTTTTCAAGTTGAGGACATTAAGCAGGATTATGACAGTGGTAAAGATGGTATTACTATGGTGACATTCAA  
GGTTGATTTGATTGTGTTGAGAAGTTGGAGGATGCTATCAAATCTAACTGTAGCCGTGAATTAGTCTTTTACA  
AGCGATAAGTTATACAGCTACTCATTGTACATGAATGCAGAGAAGGGAGGTACACATCAATATAAAGATGAA  
ATCAAGTGCGCATACAATTAATGGTGGGTGGTATGAGGTAGGTGACTGATGCCTTTGTACAACCTAGTTACATT

GCAGAATAACTTAGAAGTCCTTTGTAAAATACATTTCCCATACTAATAAATATTGAATTTGTCCNAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1453 D88649|Cucumis sativus mRNA for cytosolic ascorbate peroxidase, complete cds

TGCTCAAAGAGTTCATTCTTCGTCCATTTCTAAATCGTCCCATTTCTTCCAAGTTTCACGTCATCATCATCACCAT  
GGGAAAGTGCTACCCTGTTGTGAGTGAGGAATATCAGAAAGCCATTGAAAAGGCTAAGAGAAAACTCAGAG  
GATTCATCGCTGAGAAGAATTGTGCTCCTCTAATGCTTCGTCTTGCATGGCACTCTGCTGGAACCTTCGACAAG  
GAGTCCAAGACTGGTGGTCCTTTTGGAACTATGAGGTTCAAGTAGTGAGCTCGCCCATGGCGCCAACAATGGCC  
TTGATATTGCTGTTAGGCTATTGGAGCCGATCAAGCAACAGTTCCTCCGCTCTCATATGCAGATTTTTACCAG  
TTGGCTGGTGTGTTGCTGTTGAGGTTACTGGAGGACCTGAAGTTCCTTCCATCCTGGTAGAGAGGACAAAC  
CCGAGCCACCACCAGAAGGCCGCTTGCCTGATGCTACCAAGGGCTCTGATCATCTGAGAGATGTTTTCTACAC  
CATGGGTCTTTCGGACCAGGACATTGTTGCCCTCTCCGGTGGTCACACATTGGGTAGGGCACACAAGGAACG  
ATCTGGTTTCGAGGGTCCATGGACTACCAACCCTCTCATCTTTGACAATTCATACTTCACTGAGCTCTTGACTGG  
AGAGAAGGAAGGACTTCTGCAGTTGGTATCAGACAAGGCATTCTGTCTGACCCCGTCTTCGCCCACTTGTT  
GAAAAATATGCTGCCGATGAGGATGCTTTTTTGTGATTATGCTGAAGCTCACCAGAAGCTTCCGAGCTAG  
GTTTTGCAGATGCTTGAGCAATTGGAATAGGAAATGAGGCTGCAGGCTGTTGTTTATGTTAGCCTTGATTTTG  
TAATGTAATGAGAAGGTTGAATTGGGAGATTGTTGTTTTTTCTTTTGGACAGTTGGTTTGATTTTGGGCTGAC  
GTGTTGGGGAGACTTCGAGCTGAATGTAATATTTTCATCTCCCACTTCTTTGGACTTTAATAATGTTGCTTGAA  
AATTTATCATTTTGGTGTGTTTAGGCTATAATCCAATCAGCATCATTAAATGTCAATGAGCACGAAATACCGTT  
GAGCAAGGT

>trans\_c\_1454 XM\_002313376|Populus trichocarpa copper transporter, mRNA

ATTCAATACTGAAACAGACGGCGTTCTTATCACTTATCACAAACCAATCGCCCTTCCCAATACCACACACGAAG  
ATTTCCCGGCACCGTAGCTGCCATGGACGCTGCCGCCGAAGCTCACAACCACCATATGCACGGCATGACACCG  
CCACCGGACTCCTCCACCGCATCCCCGAAATGATGCACCACAAGATGATGATGCACATGACCTTCTTTGGG  
GAATCAACGCCGAGATTCTGTTCCATCGCTGGCCTGGCGAGCGCTCCGGCATGTACGCTTTAGCCTTAATCTTG  
ATCTTCGTGCTTGCTTTTCTCGTCGAATGGCTTACACATTGCCGATTGATTAAGGAAGATTCGAGCCAGGCGGC  
GGCAGGATTGATCCGACTCTGTTGCATACGGTTAGGGTTGGATTAGCGTATTTAGTGATGCTTGCGGTGATG  
TCGTTCAATGTTGGAGTGCTTTTGGTTGCAATTGGTGGACATTGCTTGGGATTTTTCTTGTTTGGGAGTAGATT  
TTTCAAGAGATCGGAAGCCGTTTCTGGTAAATCCTCTGATCTTCCTCCTTAGTTGTTGATGAAGGGATAACG  
TGGGAATCTGGAATTGAGATTAAATATTATAATAGTGTATTGAATGTTTGTGATGAATTTTTCTTGGATTGGAT  
TAGAAACGAAATTTGTTGTTGGAATTCTTTCAGCTTATGTCAAGTTGTAAACGGAAGAGGGGAAATGGTAAA  
TTGGAAATGCTTTGGATTGAGATTTCAGGGATAATTCATCATGTAATTTTTCTATTCTCACTGTTTCATCGTTTTG  
ATTTAGGATTCTTAATTTGTAATTGTAAGCAAGAACTATGAAGATATTCATAAGATTTTTAGTGGTGTGTTAG  
GATTCATAGTCGTTGTCTAACTTACAATCCGTGAGTGTTAGCGTTCATATGCATAATACAGATAGATATATG  
TTGCTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_1455 FJ755848|Capsicum annuum cultivar Bu-Gang RING zinc finger protein 1 mRNA,  
complete cds

ATCTTCTTCTCCTCCCATTCTATTCTACTCTCTTCTACGCCTTTCTTTTATTTCTACCTCCTGAATTCCACAGATTC  
CTGTTTCTCACCTCAACCCTACAATCTCTTTCTATACCCCTTCTCCTTTTCACTCTTCCCTTCTTTTCTCT  
CACAGCTGCTGATGTTTTGTGGGGTTTTACTTAGAAATGGCGAATGAGTTTGGTGAATCGACAAGTATGCCAC

ATCGGAACCCATCGTGCTCTACTAACAGTGATACTACTAATAATGATACTGGTGATTTTGAATGCAATATTTGC  
TTTGAGTTAGCTCAAGACCCAATTATTACTCTTTGTGGTCATCTCTTTTGCTGGCCTTGTTTATATAGATGGCTG  
CATCATCACTACAATGTCAAGAATGTCCTGTTTGTAAGGCTCTTATTCAAGAGGAAAAGTTGGTTCCTCTTTAT  
GGTAGGGGTAATAACCATCTGATCCAAGATTAATAGATATCCTGGTATTGATATTCAAATCGTCCTGCCG  
GTCAAAGACCTCAAACAGCACCACCTCCTGTTCTAATGATTTTGCAAATATGGATTGGATTCACTGGTGGC  
TTTATGCCAATGGCATCAGCAAGAATTGGCAATTTCACTTAGCTACTGCTTTTGGTGGTCTGATCCCATCTTTA  
TTCAATATCCAGTTTCATGGATTTCCCGATGCTACAGTTTATGGAACACTTCTGGTTACCTTATGCATTCAAC  
ACCTTTTCATGGAGGTCATGGTCACCATTTCCGCAACCGTCCACTCGAGGTCAGCATGCTGATAACGTAAGTAA  
AACCTTCTTTTACTTGTGGTGTCTTTGTAATCTTGCCTTGCTCTGGTGGTAAAAGATAATGTTTTGACTTCA  
ATGGAAATTACACAAGGTGTAGAGATTTTCAATAGTGCCTTATGAAGTAGGTTAGCTGATACTGTGGTCATATA  
TATGTGTGTGTGTATGCTCGATAAAAACTACTGTGAGTTTACCATCAATTCGTGTTATGGATGTCCCAAAGG  
ACTTCTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1456 NM\_118901|Arabidopsis thaliana PEL1 (PELOTA); translation release factor (PEL1)  
mRNA, complete cds

CTCTATATGTGATTGAAGTTCGTTACTCTTACAATAGAGAGAGGCATTGAAACCTCATATTGGAAATTCAGACT  
CTCTATTGAAATCATGAAGATCGTACGCAAACAGCTTGATCAAATGGAGCTGGTAGCGTCAAGATGGTGCCG  
GTTGATTCAAGATGATCTATGGCATGCGTTCAATCTGATAGCTCCGGGAGACACTGTTATGGCTGTCACCGTTA  
GAAAAGTCATCAAAGAGAAGGCTTCTGGAGGAAGAGATGCAGAACGAGTGAAACTCAAGCTAGAAATAAAA  
GTTGAGGAGGTGGCAGATTATGACAAAGTTGGCTCTATTCTGCGGATACGTGGAAAAAATATTCTTGAAAAT  
GAGCATGTGAAGATTGGGGCTTACCATACTCTAGAACTTGAGCTGAATCGGCCATTTGTCTTGAGAAAGGATG  
TTTGGGACTCTTTTGCCTAGATGTACTCCATCAAGCTTCTGATCCTGCTGCTAGTGCTGATTGGCTGTGGTTT  
TAATGCAAGAAGGACTGGCGCATGTTCTCCTTGTTGGAAAAAGTATGACAATTACTCGAGCTCGAATAGAAAC  
TTCAATTCCTCGAAGCATGGGCCGCTATTGCTGGTTATGAGTCAGCCTTGAATAAATCTTCGACAATGTTT  
TGCAGGCTTTCTTGAAGTATGTTGATTTTAATGTGGTGCGCTGTGCAGTGATAGCTAGTCTGGATTACAAAG  
GACCAGTTCCATCGACACTTATTATTGGAAGCCGAAAGAAGACAGCTAAGACCTATTATTGAGAATAAATCTC  
GCATAGTTCTTGACATACAACCTCAGGATACAAGCATAGTTTACGAGAGGTTTTGGATGCTTCAAATGTCATG  
AATATGATAAAAAGACACTAAAGCTGCTCAGGAGGTGCGAGCTCTAAAGGACTTTTTAGCATGCTCTCTAATG  
ATCCAGACCGTGCTTGTATGGACCGAAACATGTGGAGGTTGCCCATGAACGACTGGCTATTCAAACGTTGCT  
CATTACTGATGATCTCTTCAGGAATAATGATATAACGGAGCGACAAAAGTATGTCAATTTGGTTGATTCAAGTA  
GAGATTCGGG

>trans\_c\_1457 AY105565|Zea mays PCO103958 mRNA sequence

CTTTGAGTCCCTTCCATTTTCTCTCTCGACCTTCTCTCCATCGTTCAAGGAACCCTAGACTCGTCTTTACTCCGA  
GAGCTCTCGTCATATCAAGATGGGTATTTCCCGTGATTCTATGCACAAAAGGCGTGCCACTGGAGGAAAGAA  
GAAGGCTTGAGGAAGAAGAGAAAAGTATGAGCTTGGAAGGCAACCTGCCAACACCAAGTTATCCAGTGACA  
AGTCAATCAGGAGGATTAGAGTTCGAGGGGGTAATGTGAAGTGGCGTGCGTTTAGGCTGGATACTGGAAAC  
TACTCTGGGGTAGTGAGGCCGTGACTAGAAAGACCCGTATTCTTGATGTGGTCTACAATGCATCTAACAATG  
AGCTTGTTCTGACTCAAACCTTAGTGAAGAGTGCCATAGTTCAAGTTGATGCAGCACCATTAAAGCAGTGGTA  
TCTTCAGCATTATGGAGTGGATATTGGCAGGAAGAAGAAGACCTCTGCATCTGCTAAGAAGGAAGAGGAAG  
GCGATGCTGGCACTGAGGAGGTAAAAAGAGTAACCATGTCCAGCGCAAATAGAGAAACGTGAGCAGGAC  
CGTAAGCTCGACCCACATATTGAAGAACAATTCAGCAGTGGTCGTTAATGGCTTGTATCTCATCAAGGCCCG  
GTCAATGCGGCCGAGCAGATGGATATATCTTGAGGGGCAAAGAGCTCGAATTCTATATGAAGAAGCTCCAAA  
GAAAGAAGGGAAAAGGAGCTGGTGCTGCTTAAATTTTGTATGGCTTCAGCCAGTATTCTGTTTTCACTCTTT

TTCTTATGAAGACAACGAGTTGTTGCAGCTATTTTGGAACTTTGATTTTGCTGGTAATAGTTTAATTATAGTACT  
TTTGACATTTTTCATGTTAACAACAGTTCGCTTATTAGCTTGAGTTTAAGTTCTAAATTCTTAGTCAATTTATGTA  
AGCGGGTTGGTTTGGTTGTTTGATCTAGAATTTATAGAAGTACAAATGGATTATAGAGTGATTTAACTCCCAT  
TGCTTCTCTTAAACCAATTCGCTGAAGTTCCCACTTTATAATTTTGTATGTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1458 XM\_002877505|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GAACCTCATATATCCTAAACCATGGCTCTTGCGTAGCATGAATGTTCTCTAAGTTTTGATAATTTGTAATGGAA  
GAGCAAGAGGATAATAATAAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCTTCCCCAAAGGATTTCTCTTGCT  
TATGTTGAACAGGTGAACACAGATTTGATCATGGCCTTGCCAATGCAGCAGCAGGAGCATGAGATGGCCTAT  
ACGACGCTCGAGACCATTGCAAGCGAAAGCGAAGAAGACGAAAGTTCAGATTCCAACAGCAATAATGGTCTC  
AATACAAATGCCGCCTCACAAAGGGAAGAACTTATATGCCGGTGGGCATTTCCGGATGAAAATGAATATATG  
GAAGGAAATGAAGATGGGGATTATGAGGGTTCTGATATGGACGAGCTAAATGAAGATATGGAAGAAGATGA  
AGATGGGGATTTGAGGGTTTTGATCTGGATGAGCTAATTATGAGGAGTTGATTGCATTAGGGGAGTTCATT  
GGGGAAGAAAAGAGGGGCCTACCGATAAACGAAATACCTTCATGCTTGCACTCGAGCAAGTTCAAACCATC  
GAAAACAAAAGTGAATAGATCGGTGTGTGATCTGCCAAGTTGAATATGATGACGGTGAAGAATTGGCTGCT  
CTTCCTTGTCAGCATCCTTATCATTGAGAATGTATAGGCGAATGGCTTCAAATCAAAGGGTTTGTCCATTTGT  
GGCACAGAAGTTTCATCCCCCAATGGTTCTAAAAATGAATGATCTCAAACCAATTGGTGGACAACTTGCAAA  
ATGGGGGAAAAGGTCAGATAAATGTTTCATAGTTTGTTTCATTTAATTGAAAGGAAATGTTAAGAACTTAAAAA  
GAAGATGGGAAAGGCTTCTTTATATTTTATTTGTTTTTAAAAGCCAACATCTCATTCTTTGGAAGCCTCTTTAG  
GTTTCATTATGTTTTAAATTGTTTGATTACGATTGTTGTAATTAAGTACTTCTTTAAATTATTTTCCTCATC  
AAATTCATAGGAACAAAATTTAGGTAACAGATATACTTCATGTAATTATTTTAGATGAAGCAAAATATGTGAG  
GAAAAAGGTCTG

>trans\_c\_1459 NM\_001070466|Oryza sativa Japonica Group Os09g0560900 (Os09g0560900)  
mRNA, complete cds

AGTGACGCATCTGGGTACCGACTTTTCTACAATTGGAAATCAAGTTGCAAACATTCCAGGTGGAATACTAAGC  
AATTCACACTCCTATGCTTCGGTACCAAATACAGGTGGTCCTTCTTCCGGTCCACCTCCTGTAATTGCAAATAAA  
GCTCCTACTCAACCATCAAGAAATGAAGTATATTTGGTTTGGGATGATGAGGCAATGTCTATGGAGGAGAGA  
AGAATGTCCTTAAGTATCAGGTGCATGATGAACTAGCCAGGTAAGTTATACTACAACCTTAAATAACAC  
GTGCGGTAGGCTATACATGTTTCTGATTTTGGATTCTTTGTGATATACATTTGGAATGTAGGATGTGTACGAA  
TCTGACTTTTAATTAATTTACAATTTATATAATGTCTTTTCTTAGAACCTTGAGCCTGAACCTCACTTTTGCCTT  
GAAATTCATCATCAAATGTAAATGCTGTTTTCTTTAACTGACATTTTCCAGTTTGCACGCCATACCACCAAATC  
TTGTGGGCATCAAAGGCTCAAGTAGGTATTTATGTTATCCCACTTACGTGTGTATATAAAACCTTTCAAATC  
TTGCTGTAAGAAGTTTCTACCTATTGTAACAATATGATTAAGAACGTAGTATATTCAATTCTTCCTTTTGGCTTT  
TCAATCTATTATATGTGATTCACTCTCCCTATGCTTGATGCCAAAGTGTGGGGAATTGGGTGGAACAAGATTAT  
ACCCTACAGATTTTTGCTCATTCGTAGCATCATTACAATTTATTTTATGATCGATCAGTGAATACGACTTTGACC  
AGATGAGTTCAATTGATGCAGCCATAGACAAACGAATCTTGAAAGCAGGCTTGCTGGCCGAATGCCATTTTA  
GTTCAAGCCATGAAGACAGTTTCATGAAGCTCCTCCACATAGGTCGTTTCGTTGGCTGCTGTAGGTTTCAGAAG  
AAGCTATGACATTTGTAAGTCACCAGGGAATGTTGGGAACATATTTTCTTCACAGATTAAGTCAAAACATCTCA  
TTGAATTCATTGCCATAAATTGGATAGGACAGGACAGAGTTCTTTTTTCATGTTTATGTTGTCTAGGCGAT

>trans\_c\_1460 AB021873|Pisum sativum RSP mRNA for ribosome-sedimenting protein, complete  
cds



ATCGAATTTTCTCTCTCTAAAACCATTTCTCTCCCCGTTTCTAATCGATTCCGTTCTTCCAATAATGTCTTCCGC  
CGCCGATCCCGTTGTCTCATCCGACGCTCCCGCTGCCGAGATGCAGCGGTGGCCCAGCCAGCTGAGAACGAT  
TCGAAGTCCAAGAAAGCTGCGGCATCCAAAGCATCGAAGGCCAAGAAACCATCTGGTGCGAAGAAGGCTAG  
ATCTTCTCCGACTCACCTCCGTTCTTCAGATGATTAGCGAAGCGATCGTTTCTCTGAAGGAGAGAACCGGCT  
CGAGTCAGTACGCCATTACGAAGTTCACCGAAGAGAAACACAAACAATTGCCTTCCAATTTAGGAAGCTTTT  
GCTCGTTCATCTCAAGAACTAGTCGCCGCTGATAAACTCGTTAAGGTAAAGAACTCCTATAAGCTTCCATCGG  
CTCGTTCTATTCAAGCGAAAGCCGCGAGCAGCAGCACCAGTCGCCACCAAGAAGCCTGTAAGCTCAAAGCTCAA  
AGCAGTAGCAAGCATCAAGAAACCCGCCGTTGCCAAACCGAAAGCCAAAACCTGCTGCAAATCGAAGCCGAA  
AGCTGTAGCGAAGCCGAAGCCGAAGACAGTCACTAAATCCAAGACCGTCGCAAACCAAAAACCGCCGCCAA  
GACGAAGGCAGCTGAGAAGGTTAAGAAGGTTGCTCCGAAACCTAAAGCGGGAGCCAAGGCTACGAAAGTAG  
CGAAAACACTGTCGCGAACGTCGCCAGGAAAGAGAGCTGCACCGGCGGCAAAAGCGAAGAAGGTAGCAGC  
GAAGAAGCCAAAGACGGTAAAGTCGCCGGCGAGGAAAGTCCAGGCAAGGAAAGTCAAGAAATGAATTATGT  
GCTTAGGGGTTTTTGATTAATTTCTAGGGTTTTCTTTTTCTCTGGTACTTATCAATAGTACGTAGCAATGTAAAT  
TAGGGGATATGATATGAGATGCAACCGTTCGTTGTTATACAATATTTTTATCAAATGTTAGTTTGGTAAATTCA  
ATGGTCTTTTTCTTTGAATGAAATGAGTGATCATCTTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1461 FJ534642|Glycine max Aux/IAA protein (SLR1) mRNA, complete cds

ACCCCAAATTTCAAATTATCATAACATAAAAAAGAGAAAGGATCAAGAAAGTGGAAGCCAAATTAAAAAG  
CTCTCTAATTTTCTCTGCCTTATTACCGGAACAACAACCTTTCCATGGAGGTTAGCCGCAAAATGGTCAACATGCT  
GGAAACTGATCTCTGTCTCGGCCTTCCCGCGGTGGCGCCGAGCCCGAGACTCCCAAAGCAAATGGAAAAAG  
AGGGTTCTCTGAAACCGTTGATCTGAAACTCAATATCCAATCTAAGACTGGAGTTACCGTCGATCTGACTCCAA  
AGAATAGTGATACTTCGACTGATGAGGAGAAATCTCATAACCTCTAAAGATCCTGCAAAGCCACCTGCCAAGGC  
ACAAGTTGTGGGATGGCCACCCGTGCGATCTACCGGAAGAATGCGATGTCTCAAAAGAGCCCTGACTCCGG  
AGAAAAAGGCGGAAGCAGCGGCGGTTTACGCTATGTTTGTCAAAGTTTGTATGGATGGCGCACCTTATCTGCG  
AAAGGTCGACCTGAAGATGTACAAAAGCTACCAAGAGCTCTCGAACGCCTTGCCAAGATGTTTACGCTCCTTC  
ACCATGGCCGGTGACTATGGGGCCCAAGGAATGATAGACTTCATGAATGAAAGCAAGTTGATGGATCTTCTG  
AACAGCTCTGAGTATGTGCCAACTTATGAAGATAAGGATGGTGATTGGATGCTGGTTGGAGATGTACCTTGG  
GAGATGTTTGTGACTCATGCAAGCGCTTAAGGATAATGAAAGGATCAGAAGCTATTGGAAGTTGCCCAAGA  
GCAATGGAAAAATGCAAAAGCAGAAGCTAAAGAGGGCGGTGGTTCCATGATTTGGTCGACCCATAATTAAGC  
AACAAAGAAGGAGGCAAGACAGATGGATCGAGCATATGGATCCTGTTTGATTGCAATGTCTCTACTTTTTTTC  
TCTTTTTTTTTCTTTAATTTTAATTTTATGTTTATGATTTCGTATATAGATATTAAGAGATTGTTGGGACATTA  
ATTAATTTGTAATAGCCAAACAAGGAAGGAAAAAAAAAATAAACTCTCTCTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1462 XM\_002300986|Populus trichocarpa serine hydroxymethyltransferase 4 (SHMT4),  
mRNA

TAAGCTTGAAGAAAAGGCGCTCGATTATCGTCCGAAAATACTCATCTGTGGAGGAAGTTCGTATCCACGCGAG  
TGGGATTATGCTAGGTGTAGACATATCGCGGACAAATGCGGAGCGGTTTTGATGTGTGATATGGCCCATATA  
AGCGGTCTGGTGGCAGCCAAGGAATGTGCTAGTCCGTTTGAATATTGTGATATAGTTACTTCAACAACACACA  
AAAGTCTTCGAGGGCCAGAGGAGGAATCATATTTTTCAGGAGGGGTCTAAAATCAAGGAAGCAAGGCGTG  
CTTCTAACTCATGGAGATGACAATCGCAATACCACTTATGATTTTGAGGACAGGATAAACTTTTCTGTCTTCCC  
ATCGTTACAAGGGGGTCCCCATAATAATCATATTGCTGCCCTGCCATAGCGTTAAAGCAAGTAGCTTCTCCTG  
AGTATAGAGTATATATTCGACAGGTGAAGAAAAATGCGCAGGCTTTAGCATCAGCTTTACTAAGAAGAAATTG

CAGATTGGTAACTAATGGTACTGACAATCATTTGTTGCTGTGGGATCTTACTCCTTTGGGACTAACAGCCAAGA  
ATTATGAGATGATCTGCGAGGCATGTCATATAACAGTCAACAAGAGTGCCATCTATGGTGACAATGGAGCCAT  
TCCCCCTGGAGGAGTGAGGATAGGCACTCCTGCAATGACGACTAGAGGCTGTCTAGAGGCTGATTTTGAGAC  
AATAGCTGAGATTCTTCTTAAAGCAGCTCATATCACAAAAATAGTCATTTCGTAGAGGAAAGCTTGGAAAATTA  
CATAAAGATATCATGAAGAATCTACAAAACAACAAAGATATTGTGGAGCTTCGGAACCGGGTCGAGACCTTTG  
CTGCTTCATTTGCAATGTCAGGATTTGATATTTGAATATGTGAGCTTCTTGCTTGCTGCTATATACAACCACTTC  
ATTTGGTCACACTAAACATTGAATTCATGTCCTTGTAATATAGGAACTACATAGTACTTAGTGCTGCACAA  
AAAGGTCGAGGTTTGACATGTATCATTCTATACTTGTAACAAGTGAAATCTTAGGTTATAACAAGAAATTTTC  
AAGTCAAAT

>trans\_c\_1463 XM\_002871725|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphoglucosamine mutase family  
protein, mRNA

AAGAAACAACCACCAGTTGAATTGCCATTTAGGAGTGATTCTTCCCATATATTTAGTATGCCAAGCTTTCAAT  
CTAACGAAGACAAATCGGCATCTCCATTCTCCATCCTTCAACCATCCTAAGGCACCTGCTCGGCTGATGAAC  
CTGACTCCACCTTCAGGGTATCAGGACTTGGACTTCCCGAAGATGACCAGAAAATGATTTCTGACCTCTTGAG  
TTTCTATGATTCTAACCTCCAACAGGACAAACATTTGAATTCCTTGACAGCAGCTAGGACTGTAAGGCCGAGTT  
TTATGGCGTCGTCATTGCTTGGTGCCTCGATGTTAAGAGGAAGTACAGGATCATGCAATGAGAGTCTTAGAAG  
GAACCACCCACCCAAATCCAGAAACCCGAACCCCTTCATAGTTAACAGGAGCTTTCACAAGCTTGGGATCAGA  
AGCAACAAGATTCTCAACATGTTTCAGCACTGCTTCTCCATAATCGCGGAAGGGTCTCCTTGAAGGTCTGGAT  
GGTTTTGATTTATTTTTAAACGCAACTCAACAGCAACAGCAGGCTCTTGTAACCTTCCACCAGATCGGTCAAA  
ACTTGGCTCCACCACTAATCCTGAGGCTCTTGTTGATGCAAGTTTGTTCAAAATTTTGACCATGAGATATGC  
GCCATCATCAAGCCAATGGTTCTCCTTAAGAGCTCCATGACCACTGGTTTCAATAGCCAAATGTGACTCCTCAC  
CAATAGAATTCAGGCGGATAGCTTCATCAATGACATTTTTGTAGCCTCTTTGAACCTGTGATGTTTTCCCCAA  
GTTTCTTCTCTATAAACAAGGTTAGGCCATCAGAGGTCACACTGTCTGTAACAATAGTGGTGCCAGGATGCTCC  
TCAAGAACAATGGAAGACATCAAGGCGATTAAGCGATTCCGGTTAAACTCACGTCCATTAGAATCCACAGCAG  
CAGATCTGTCAACATCTGTGTCAAAGATGATCCCTAAATCAGCTTTGTTGTGAAGGACAGCCTCTGTTATGGCT  
CTCATTGCTGTCTTGCTCCTCGGGATTTGGTATATGGTTTGAAAATAAACCATCTGGCTCCAAGAAGTACTAC

>trans\_c\_1464 NM\_001048320|Oryza sativa Japonica Group Os01g0107900 (Os01g0107900)  
mRNA, partial cds

ATTTCCGAGCTTATGCCAGCTGATGGCGCCAAAGTATTTTGGGGTGTGATAAGGTTTCTCCGAAGATCTCAA  
GGAATGTTGAGAGATAGTCAAAAAGGGCAGTCAGTCAAGCACAGAAGCGGAGTAACTATCTGAATATACT  
ACCTTCAATCGGATTACTACAGCGAGTGGAGACCTAGATCCATTTGATGGTCTCTATGTTGGTGCAATTTGGCCC  
TTATGGCACTGAGGTGGTGCAGTTGAGACGAAAATTTGGACACTGGAATGATTTGGATAACAAGGAGAACAC  
TACAGATATAGAGTTCTTTGAGTATGTAGAGGCAGTAAAGCTGACTGGTGACCTTAATCTTCCGGCTGGCCAG  
GTCACTTTTCGGGCTAAAATTGGGAGAGGAAACCGCAATGCCAACCGTGGAATGTATCCAGATGAACTGGGA  
GTGGTTGCAAGTTACAAAGGTCAAGGTAGAATAGCTGAATTTGGGTTCCGAAATCCCCAATGGGTTGATGGA  
GAACTTCTCCAATTAATGGCAGGGGTATTGGGCCATATGTCAAAGGTGCAGATCTCGGGTTTCTCTATGTAG  
TTCCTGAGCACAGTTTCCTTGACTCTTCAACCGTTTGAAGTTACCCGAATGATAGATGCTTGATTCTTGCCCTCA  
CATTTTGGTTCAATCCTTTTTGAATCTGATGAGTGACATTGCCTGGCTTCACAACAGGAAGAAAGTTCTAATCT  
CTGTAACGAAAGGTTCAAGCAACGAAGACTCTTCCAGCTACGTATTTCCATTACATTTCTCTTTCAGGCAAA  
ATTTTGGTCTTTAATATAGTTCAAGATATCTTCTACTTCCTTTCCCTGAGGTATATATCAAATTTTGATGATTC  
GACATATAATAGTGTGTGATTCTGGAAGAGTATCTGTGAGCACCTGTTGTTTGCATGTGAAAATATTTAACAT  
CTACTCAATAATATGTGAAACATAGGCCATGACCTTTTATAGTACCACCTAACCTGAATATTCAATGAAGCTTT

GAAACTATGGCTGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_1465 NM\_001054911|Oryza sativa Japonica Group Os02g0794400 (Os02g0794400)  
mRNA, complete cds

ATCCCAATCCTCCGCCGCTTCCACCACCACCTCCCCCGCCGCTGCCCCAACTTCCTCCTCTTCCACTACTCCCTTC  
CGAACCTCAACTCCCTCTCTTCCCATCTCCTCCTCTTAATTCCAATGCCTTCAAACCTCCGCCTTCACAAATCCA  
ACTCTCTACGTCTCGTCTTTTCTTTCCCGTTTCTCTCCGATTCTGACTTCTGTATTCTGCTCGACTCGGCGGCGC  
TCCTCGATCTTCAGGACCGCCTGATTCTAAGCGCTTAACGATGAATTTGGTCTCGATGTTTCCGCCATCAGGT  
CAAATAATGTGAGGCTTATCGATGCTCAACAGAATATGGTTGGAGTTGTGTGCAAGGCCCAGGCCATTGAGAT  
GGCTGAAGACGCTGAACTTGATTTGGTTGTATTATCTCCTGATGCAGATCCTCCGGTTGTCAGAATAATGGATT  
ACAATAAATATAGGTATGAACTGCAAAAAAGAAAAGAGGACAACAGAAGAAAAGTGCTGCAACTCGCATG  
GATTTGAAAGAGCTTAAATGGGTTACAACATCGACCAACATGATTACTCTGTCCGTTTGAAAGCCGCAAAGA  
AATTTTTAAAGATGGAGACAAGGTTAAAGTTATAGTGAACCTGAAAGGTCGTGAAAATGAGTTCAGAAACA  
TAGCAATTGAGCTCATCAGACGTTTCCAGGAAGAAGTTGGGGAGCTTGCAACCGAAGAGGCCAAAAACTTCA  
GAGACAGGAATATATTTATTGTTCTAGTCCCTAACAAAGGCTGTTCTTCAAAGGCTCAAGAACCTCCCAAGAA  
AAAAGATAAACCTGCAGTTAATGAAGTTTCTGCTGGTGTAAAGCTCAGGAATCGTCGAGCTTTCGCCAAAAA  
TAGATGGGTTAGTTGCAACATTCTAAATCTTCTTCTACCATATAGAAATTTGAGAGTTTAAATGTATAATGTTTT  
TGTTTAATCTTATGCATCAAACCTGTTGTTCTGCTCTATTTTTTAGTGGAATGTTTAGAAATCAGACGTGTTACTA  
ATTCTTTAGAAAACATCAATTCATATAACCGTCCTTTGCTCTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1466 XM\_002316297|Populus trichocarpa pseudo response regulator, mRNA

TATCGACATGGGGTCCACTACCAATAATGCATTTTCCAAGTCTGTAGTTACTAATAACAAGTCAGCAATGGGAT  
CAACAGTAAACTGCTTGACCCATCGGCAGCTTTCACCCTGTTAAGAATGACAGTCTATCTGTTCCACAGCTA  
GCTGATAATGTTAATAATGTCACAACTGCAACAATGCAAGCTCAGTCTAATTTGTGCACAGGGAATCTCAAAT  
GCAGCAACTTTGTCACACGTATGATCCTACTCATCAGCTTGTCACAATATGCAACGATTATCGTCTGAGCATA  
ATAATTTTTTATTAAAGAAAATATCTGCAGCTGCCACACATTGTGGGTCAAACAATGTTTTAAATGGTACTGTA  
GAGGGTAATGCAGCAAATTATAGTGTGAATGGTAGTGCCTCGGGCAGTAACCATGGAAGCAATGGCCAAAAAT  
GGGAGTAGCACTGCAGTAAATGCCGGAGGGCTGAATATGGAAAGTGATAATGGAGTAGGTGGAAGTGGGG  
ATGCAAGTGGAAGTGGGAGCGGGAGTGGAAGTGGAAGTGGAAGTGGAACAAAATGGACCAAAACAAAGT  
TTCACAAAGGGAAGCTGCCTTGACAAAGTTTCGCCAGAAAAGAAAGGAAAGATGCTTCCGTAAAAAGGTCCG  
ATACCAAGCAGAAAGAGATTAGCCGAACAGAGACCCCGAGTCAGGGGACAGTTTGTGAGGCAAAACACGA  
GTGAAAACACAAGCAATGCAGGAGATGGCTAAAGTCATTGCATTGTTTTGGTAAAAAGCAAAAAAAAAAAG  
AAAAAAAAATGATTTGTTTTCCCTTTAAACAAGAAATGTTACCATGTGCATGTGGGAAAATAGATAAATTAGAG  
TGTACATTTTAGACAGAAAAATGATGTCTTTACTTAACAATTCTAAATTAGACAGACAAAGCTGAACTGGACT  
CTGTTGCCAGTGGCTACTGGACTTCTAATTCAGAAGGCCTTCTGCCTTCTGCATCAGAAAACCTCTATTTTAGT  
TTTGATTTGGACACAATGCGGGTGTATTATTATTATTATTGTTATTACCTTCATCTTTCTTCCAGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1467 NM\_120230|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT5G01520) mRNA, complete cds

TTGTTGGCTAAGCGAGAGAAAAAGCCAAGTGAGTCCCACTTCCTTCTCTACGGCTGTTCTTCACTTCTCGAAT  
TGCTAAATTTTGCTTCGAAAACCTTTTTCGCCGAAGAACTGCAACATAGAAAGGGGATTCATAATCTCATC  
ATTCATAATTTTTCATATTTTGGATTTCTTTTATAGAGGTGAACCGTTGAAGTCGAACGAGGTGGAATGAATT

CTCGCTCGTAGATTGCGGAGATGATGAGGTAGGAGTTGTTGCTGCTGATACTAGAAAGTGGGGAAGGGGAGT  
TTTTTGGTGTGGAAATTAACCAAAATGCGAAAATCTTTCAAGGATTCCCTTAAGGCACTCGAGGCTGATATTC  
AGTTCGCCAATACCTTGGCTTCTGATTATCCCAAGGAATACGATGGAGCATGCCTGCAAATGAGATTATCCTAT  
AGCCCGGCTGCACAGTTTTTTCTTCTTCTCGTGAATGGACTGATTGTCATCTTGCTGGTGCATTGGGCCTGCTC  
AGAATTCTAATATATAAGGCATATGAAGACGGGAAGACTACCATGTCTATTCAAGAAAGAAAGGCTAGTCTCA  
AAGAGTTCTATGGGGTGATATTTCTTCGCTAGTGCAACTTCAAAGAGGAATTACTGACATAGAAGAAAGAAA  
ACAGAGAGAAGTTTATGCTGCAAAATACAGAAGAACAGATCCTTTGAACAAAGGAAAGATCTCTGAAATCGA  
CATGGAAAGAGAGGAAGAATGTGGTATTTGCATGGAGCTAAACACCAAGGTTGTCTTGCCTAATTGCAATCAT  
TCAATGTGCATGAAGTGCTACAGGAGTTGGCGCACTCGTTCGCAATCATGCCCCCTTCTGCCGTGACAGTCTCA  
AAAGAGTCAACTCTGGAGATCTTTGGATATGTACCAGTAGTAGTGAAATCGTCGACTTATCCTTCATCTCTAGG  
GAAAATCTGAAGAGGCTTTTCATGTTCAATAAAGTTGCCTCTCATTGTTCTGATCCAAAACCTCATCTCTTAT  
TATCTGAATCATTATTGAACACTCCAGGCTTGCCCCGGAAGTAATTTGTAAATAAAGACCCATTACCCTTGTTG  
GC

>trans\_c\_1468 NM\_111102|Arabidopsis thaliana GAUT9 (Galacturonosyltransferase 9);  
polygalacturonate 4-alpha-galacturonosyltransferase/ transferase, transferring glycosyl g> (GAUT9)  
mRNA, complete cds

AAGGTATGGTTTAAGATGAGGCCAGTGGAAGAGGAGCTCATATTGAAATAAAGGCTGTGGGAGATTTTATC  
TTCTTGAACCTCGTCATATGTTCCATTGTTAAGGCAACAAGAGTTGGCAAACCTCACAAAAGCCTTCTTCCGACAA  
CACAGTAAAAATTAAGAATCCTAAGGATACATCCCTACTTAATCACCTTCGTTTTATTTGCCTGAAATGTTTCC  
TAAGTTGCAGAAAATCATATTCTTGAAGATGATGTGGTTGTTGAGAAAGATTTAACAGGATTGTGGAAGATA  
GATTTGGACGGGAGGGTAAATGGTGCAGTTGAGACTTGCTTTGGGTCCTTTCATCGATTGCTCATTATTTGA  
ATTTCTCAAACCTCTAATCAAGGAGAAGTTTAATGCCAAGGCATGTGCCTGGTCTTATGGGATAAATATATTT  
GATCTTGATGCTTGGAGAAGCGAGAAATGTACGGAAGAATACAATTATTGGCAGAACTTGAATGAGGACGGA  
TCTTTGTGGAGTGGGGGAACCTTCCACCTGGTCTAATCACGTTCTACTCAAAAACAAAGTCTTTGGACAGATC  
TTGGCACGTGCTTGGTCTTGGTTATAATCCAGTATAAGCATGGATGCTATCAGCAATGCTGCAGTCATTCAAT  
ACAATGGAAACATGAAACCTTGGCTCGATATTGCCATGAACCAAGTATAAAGGTTTTTGGACCAAATATGTGGA  
CAGTGATATGGAATTTGTGCAGGTGTGCAATTTGGACTTTAGATGAGCTTGTAGTTGCTGTCACCAATCAGG  
TACATAAAAGAATTTAGTTTCTTATAGTTTCTTTCATGATTATTGCTTAAAGTTTTGAATTCCTCATCAGCTGTTA  
TGTCTGGAGCAAAGCTTTGTAATATAGCCAATATATTTTTCTTAAATCACATGAATGTTACAGACAATTTAACT  
CAACACTGGATAGGCTCCAATGTTTCAAGCCAGGATTCTATCACCAGTGAAATTGGACGAGCTTTTTTTAAATA  
TATAAAAAACATGATTTCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_1469 HQ449718|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc\_SSR\_9 sequence

AAGTAGGAGTGGAACCTAGATGAACTCTGCAACAACCTACAGGAGTTGGTGTCTCCCTGCAATTATCACAAGA  
CATAATTGATAGTGTGGGGAGAATATTTCTGAAGATGCACGCTTAATCGTCCGGTCTAGTGCCAATGTTGAG  
GATTTGGCTGGCATGTCAGCTGCTGGACTTTATGATTCAATTCAAATGTAAGTGTGAGAAATAAACTGTTTT  
TAGCAATGCTGTTAGCAAAGTATGGGCGTCGTTGTACACTCGAAGAGCAGTTCTAAGTAGACGAGCTGCTGG  
GGTACCTCAGAAAGATGCTCTAATGGCAGTGCTGGTGAAGAAATGCTTTCTCCGACTTATCATTTGTTCTAC  
ACACATACAGCCCAACCAACCAAAACGACAAGTCTGTTGAGGCTGAGATTGCCTGTGGACTTGGTGAAACTCT  
GGCTTCTGGCACCCGTGGCACACCCTGGCGTCTTTCATCTGGGAAGTTTGATGGTGTAGTACAAACACTGGCA  
TTTGCAAACTTCAGTGAAGAACTAAGAGTCCTTTCTACTGGCCCTGCTGATGGAGAAATGGCACGTTTTACTGT  
AGATTACAGCAAAAAACCACTGTCCGTTGAACCAAGATTTCTGTGAACAGCTAGGTCAACGTCTTTCGCTGTT

GGCTATTTCTTGGAATGCAAGTTTGGCTGTCCACAGGACGTCGAAGGCTGCACCGTGGGTGATGACATTTATA  
TAGTCCAAGCACGCCCCGAACCATTGTAGAACATAGGGTCTTTTCAATGAACGGCTGCTTGGATTTAGAAAGA  
TGAGATGATGAAGTCTAATAAACCACCCGTTGTTATTCTACCATCTCAAGTACACTAAGTCCTAAAATAAAACA  
ACATTATCTGAAGTTCATTAGATATAAAGAGGAAGCTGTGTAATTTACTGCAGTTGTATTACAGTTTATTGGTA  
AAGCCATAGAGTAATCTAATATGTTTTGTATCAAACCTAATTCATCATTGGCCAAGGCTACTTTCTTGGTAGATA  
TTATANGGTGGTCGGATGCAGTGATGACATGTTTTTAATATTATTTTCTTGATTCAAGAATCGGTGTTTTTCC  
CTA

>trans\_c\_1470 DQ869862|Camellia sinensis 26S proteasome regulatory particle non-ATPase  
subunit 12 mRNA, complete cds

ACCATTTCCAATTTCAGCAAACAGATTCAGAGGAGGAAATTGAAGAAGAAGATCGCCATGGATCCGAAGCTA  
ACTGAGGTCTCTCAGCACTTCGAGCGCTTCAAAGCTGCTCTTGTTAGACACGATTACGATTCTTGTAACAATCT  
CCTCTCTCAGCTCAAGGTTTTTTTTGACTGGATTGAGAAGTCTTCCACCATTGTTTGAAGATACGCCCAATGCTGT  
CCATGAATTGACGATAGCTAGGGATATATATGAGCATGCTGTGTTGCTTAGTGTGAAGGTTGAAGATCAAGAT  
GCATTTGAAAGAGATTTCTTCCAATTGAAGCCTTACTATACTGATGCTCGTAACCGCCTTCCTCCATCCCCTCAG  
GAGTATCCCATCTTGGGTCTCAACCTTTTGAGGCTTCTTGTCAGAACAGAATTGCTGAATTCCATACGGAACCT  
TGAACCTCTTTCCACCTCTGCTTTGGAGAACCCATGCATTAACATGCTGTGGAGCTGGAGCAATCCTTCATGG  
AAGGGGCTTACAACCGTGTGTTGAGTGCTCGACAGACTGTGCCACATGAAACTTATGGTTATTTTCATGGACCT  
CCTTGCAAAGACTGTAAGAGATGAAATAGCCGTTGCAGTGAGAAGGCATATGATTATCTTTCAATAAATGAT  
GCACGCCAAATGCTGTTGTTTTCTCTGACCAGGAACTTTTGGACTACGTCAAGGAGGAGCATCCTGAGTGGG  
AGATAACGAATGGCGTCGTATATTTCCAGAAGGCGAAAGAATCTGCACCATGCAAGGAAATACCATCTCTTCA  
ACTTAACAACCAAACTCAGTTACGCAAGAGAGTTGGAGCGAATTGTATGAACCACCAAGCTAGCAGTTTCT  
CATGATTCTCATCTGCTGATTTTACACATGCCAAGGTTTCTGGTTATTTCCCTCCCCCATCTTATGATCATTATGA  
CATTCTTCATACAAAATTATTATTTCTGTGACATCGGGTCAGATTTTGTGAAGTTATCTTGGTGTTTTTCATTAT  
CATGAGATGATTGTTTGTGCATCTGTCTGTACGTGTTTGTTTACAATTACACATCTTCCGCATCTATTAA

>trans\_c\_1471 BT005249|Arabidopsis thaliana At4g16060 mRNA, complete cds

AGTTTCTGATTGTCGGGGGCAATGACTGAACGACTCGCTCTCCAATTTGCTCGTCCTTCTCCATCTCTAGGGCT  
TTCCGCTTCCAATCGCATCCCAATTCCCTCTAAATTTCAGTTTCAGCTTCCATTTCTTTCTCTTTCGGTAATGCAC  
ACTCTCCTCTTTGCTCCGGCTCCGGCCTACTCCGGCGAATATCTCCGATCAATGTGTCGTCGATTTCTCTTGTA  
GTGAAGCAGAACCAAAGGAACTGCGAGATGAGTCCGATTTTGAAGCAGTCTTCTTTGACAGCGATTATATTTTC  
CGTTTGTGGATTTGGTTCTCTCTTTCTGAGAGGAGTGCGCGAAGTACATTTCTTATCTGATCAACTTTAGAG  
TGGCGAGATTGAATGGCTTTAGACGCATTTTTCGAAATGTAGCTCCTGTATTCTTTGAGCGCGGCATTGCTAA  
ACCTGAAACCAAGGAGATTTCCAGCTTGTGTGCGGAGCCTTGCGAAGGAGAAAATATCATCATTACGGTTTTTC  
GAGATTAAGAAGTTTGAGATTCCCGCGTTTATACAAAGAGAGATTGAGTTTCGATTTCTAGCAGTTTTTCTGA  
AACATTAGATGGAAAGGCATATCAAAAACCAGCGGTGCTTTGTTCTCGATCCACTGATGAAGAGTTTTTCCAA  
GTGAGATGCAAAGGGAATAAGGACATCTTTTTTCATCATTATGGTCGGCATAATATCGATAAGATATGGAGAG  
ATGATATCTTTCCTGTGCGGTTTATCTTCGTCACTGTATTTTAGCTGCAAAGAACCTGGGTGACGAAGCTTATA  
ACAATTTCTGGATCATACTTTCTTGGAGATCGTAGTACAACCGTTTCGTGAATATTTGACCGGTAATGGTTCA  
GGCATTATGGAGGAGGAGCCTCCCGAATCCCTCAAGTTCCGATATGGCGGTTGATATTATGGAAAACAAAAT  
AAGTGCAATGACTTATAGATCCTTGAAAGCCTTACGAGGTACGATTAACATATTATTTATTCGAAAATTACCG  
CTCTAGTTCTCAAGTTTGGGAGAATACGAACATTTACTAAGTTTTATATATAGAAATAGTTGCAAATATAA

>trans\_c\_1472 NM\_112853|Arabidopsis thaliana radical SAM domain-containing protein  
(AT3G19630) mRNA, complete cds

AACTTACAAAGCGGCGGAGCGATGGCGGTGTTTCGGTCTGCATTCGATGCCGGAGAGTTGAGAACCGAGTTC  
GAGAAGGCCGGCATCAAAACACCTTCATCCCCCTTCATTTGGAAGCATTTGCTTCACGATCAAAACAACCTATT  
CAACCATAATCTGGCATCCGAATTCCAATGGGAGCAAGCTGTGCCTTCGCTGCCGTCGGCGGCCTATTGCTTG  
CTCCGGTTGAAATTC AAGCCTCTTACTTCCACCGTCCACTCTGTCTGATTCTCCGATCAGGTCACCAACAAA  
CTCCTTATTAAGCTTCAGAGTGGAGCTTTTGTGGAGGCTGTCATAATGAGGTATGATACTCGTCTAGGAAAAT  
ATGGCGGCAAACCTCGTCCAGGTGGTCTGCGGTCTACTCTTTGTATTTCTTCCCAGGTTGGTTGCAAAATGGG  
ATGCAGATTCTGTGCAACTGGAACGATGGGGTTTAAAAGCAATCTGACTTCAGGGGAGATAGTAGAGCAGTT  
GGTTCATGCCTCCCGTTTTTCCCAAATACGCAATATTGTTTTCATGGGAATGGGTGAACCATTGAATAACTATT  
TTCTTTAGTGGAAGCTGTCCGTGCAATGATGGGCCCACCATTCTTACTATCACCCAAGAGAATTACTATCTCAA  
CTGTTGGAATTATTCATGCTATAAAACAACTGCACAGTGATCTTCCAGGATTGAACCTGGCTGTTTCCTTGCAT  
GCACCTGTGCAAGACATTCGTTGTGAGATAATGCCAGCAGCTCGAGCTTTTCCTTTACAAAAGCTTATGGATGC  
TCTCCAAGAATATCAAAAAAAGAGTCAGCAAAAAGATTAATTGAGTACATAATGCTTGATGGAGTGAATGAT  
GAGGAGCAACATGCCCACTCGGGAAATTGTTAGAGACATTCCAAGTGATAGTAACTTAATACCATTCA  
ATCCTATTGGTAGTTCAAGCCAATTCAAAACCAAGTGGCGATGAGAAAAGTTTCAGTCTTCCAGANATTCTCCGC  
GGTACGTATAACATACGCACAACAGTTCGTAAGCAGATGGGTCAAGATATTAGTGGTGCATGTGGTCAACTG  
GTGG

>trans\_c\_1473 Y12090|*L.esculentum* mRNA for 3,4-dihydroxy-2-butanone kinase

ATAGAAGAAAGGGAAGATGATAGGTTTTCTGAAACTGTGTGTCAGGGTTTTCAATTACCATCATGAAATCAGA  
TCAAACAGTTTTGCAACGGTTGGATGCTGCAACCAAGGCTCCTTGTTGGCCATTGGTGCTGATGGTTGTCAC  
CTACCTTCCAAAATACCTGTTCCACTACCACCACCTGCTCTTGCTACAAAGAACGGTGAGACACTAGGTGGACC  
CGTTCAACTAAATCAACAAGGCATTATTCTAGAGGCTGCAATTGAGGCAGCTGCCAAAGCAGTGATCAATCTC  
AAGGACACATTAATGAATGGGATAGCAAAGTGGGGGATGGTGATTGTGGGTCAACGATGTTCCAGGGGTGC  
AACAACATTATTGAGGACCTAAAATGATATACTATATTTTGAAGGCAGCATATACAACATTGAAATCATCCA  
ACCTAGATAACATCACCCCGCAAAAATGGGCTGAAGCATTAGAAGCTTCCATAGCTGCAATTAGCAAGTATGG  
TGGGGCTACTGCTGTTATCGAACATTACTTGATGCCCTCATCCAGCATCTGAAGTTCTTAGGAAGAAATTAG  
ATACTGGTGAAAATCCGATTACCGCTTTTATTCACTCATCTGAAGCAGCATTGACTGGGGCTGAAGCAACAAA  
AAACATGCAGGCTCAGGCTGGCCGTTTCGTCATATGTATTTGGAGAAATTCTCGCTGCAGTTCCAGATCCAGGT  
GCAATGGCCGCAGCAGCATGGTATAGAGCTGCGGCTATGGCTGTCATGGAAAGGTGCCAGGCTGCTTCATGA  
GCAAATACATTATGCTTTAAGATCTGCGCCTTTTTTACCTGCAGATTTGACCGTTGTGATTTTTATTATTATG  
TTTCAATCTTCAGTGCTTTCCATTTACGCATTTTTTTCATAAAAACCTTCATTTTTTTTAATCTTATTTTTGCATAAT  
GCCGAGAAAGCAAATTCATCTAGGGAGAGAGATTGTCTTAAATCGTCTGCTCCATAAAAATCATGTGCTTGAA  
GATATGTATTTTCACTTTTGTCCAGTTGCTTACGATCATTGTTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_1474 FJ708709|*Arabidopsis thaliana* leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

GACTTGCATATTTGCATCATGATTGCTCACCGCGAATCATTCACCGAGACATAAAATCAAGTAACATTCTACTT  
GATGCTAATTTGGAGGCTCGAGTTTCTGACTTTGGACTTGCGAAACTCTTAGAGGATGAAGAATCACATATCA  
CGACTATTGTTGCAGGAACATTTGGTTATCTGGCTCCTGAGTATATGCAAAGTGGTAGAGCTACTGAAAAGAC  
TGATGTATACAGTTTTGGGGTATTGATACTTGAAGTTTTGAGTGGCAAACGTCCACAGATGCCTCATTTCATTG  
AGAAGGGGCTAAACATTGTTGGTTGGTTAACTTTCTAGTCACAGAGAATCGACAACGAGAAATAGTCGACTT  
ACAGTGTGAGCGCATGCAAGCAGAGAGCTTGGATGCATTGCTTTAGTTGCCATCCGATGTGTTTTCGTCAAGT  
CCAGAGGAACGACCAACCATGCACAGAGTGGTCCAGATTCTGGAATCTGAGATTATGACTCCATGCCCAAGT

GATTTCTATGATACAGATTAAGATCTATAATGACACCCAAGCCAAGCCTTGCAATACCATGCCATGCCAATGAA  
GGCATAGAACCTTGTTGGAATCAGCCAAAAGGATTATGACACCTTCAAGGTCCATGCTTTCTAATCTGATTGAT  
TCTTCATTATTTCTTTCTGAGAAGTCGCAATTATGCAGCTTTTGTGATTGAGCTCTAACGTTTGAGAAAAGGT  
CCCAAAAAGTGCTGTTTCTCTAACCAAACCGCATTGGATCTCTTGAATTCCATTGCCCCATGTAAGTAAATGA  
AGGTTCCACGTCCTGAGTTTTTATATTTGTTCAATCTCCCCTAGGGTTTTTCTTCTTCTCTCTTCGTCTCAA  
ATCATTCTCTTTGTAATTTTCTGTAACTTTGGACCCTATATGAATTGTACATGAGTGATTGTATAAATATTCGA  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACCCCAAGGCCCCCAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_1475 EU363226|*Solanum lycopersicum* Huafan No. 1 genomic sequence

AATCTCCAAACAACCTTCAATTGGAAAGAAATCAGAATGAGTAGTGGAAGGGACGTCGTTATTCATTCCTTG  
CTTTTTCTTCTTCTTCTTCTCTCATCTCCTCCGAGGTGACTGCAGCAAGGAAGCTGAAGATGGTCCAAAAGA  
ATGAACAGAGATCAATTAGCATCAGCCGAGAACAGGAATCCGCAACAAACCGGTCTGCGGTCTGAGCGGTC  
GTTATACCGATTGCATCCCTAGAAATAAGCCACCAAGTGAAAGGTGCAGTCCCTATGTTAGAGGATGCAGCCC  
GCCGTAGACCGAGTACTATCACCTATTTCTCTGCAAATGATCAATAAATCATTCCAAATCACATGGATTGAAA  
TCTTGTTTTAAATTGGGGTGTTATTAATTTATCCTTTGAAATAAAAAGTGTGTGTGTATAATTCATATATATAGT  
AGTTTATATATATGATATTTCACTTTGGAGTTCAGTGTGTTTTCTATTGTATGATCTCTATGTATTCAGAATCAAT  
TTGGACTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTT  
TTCAACCCCCCACCCTCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTTCCCCCTAAAGGGAGCCTATTTCCCCCCCCCT  
GGGCCCCCTTTTAAACCCCCGGGCTGGGAAAACCCCGGGTTTCCCAATTTATCCCCTTTGAAACAATCCCC  
CTTTTCCCCCGGGGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCCATTTCCCTTTCCCAAAATTTCCCCCCCCCTAAAGGG  
AAAAGGGAACCCCCCTTTACCGCCCTTTAACCGGGGGGGGGGGGGGTTTACCCCCAGGGGGGCCCTTAC  
TTTTGCCGGCCCCCTAGCCCCCTCTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTCCCCCTTTTCCCGGTTTTCCCGTAA  
AGTTTAAATCGGGGGCCCCCTTTGGGTTCCTAATTTGTGTTTTCCGGCCCCCTCCCCCAAAAAATTTT

>trans\_c\_1476 BT020367|*Arabidopsis thaliana* At1g15340 gene, complete cds

TTTLAGAGGGAGAAACAGCAAAAGAAATGGAGAGCAAAGAAGAAGTTATGATGGTGGAATTGAAGAAGCT  
CAAGCTGATACTGGAGCAGCCATGGATGAAGTCATTTCCGTGGAGCTTCTGCACCACCTACTTGGAAGAAAC  
TGTTCATACCCAGGAGGTCAGGTACACCAAGAAAGACTGAGATTGTATTCATTGCTCCAACCTGGTGAAGAAAT  
TGGTAATCGAAAACGCTGGAGCAGTACTTAAATCGCATCCTGGTGGTCTGCAATATCGGAGTTTGATTGG  
AGCACAGGGGAGACACCTAGAAGATCAGCAAGAATCAGTGAGAAGGTCAAGGCAACTCCACCTAAAGAGGA  
GCCTCAAAGAAACGGGGCCGGAATCTTCTGGTTCTAAGAGAGAGAGTAAGGAGGAAGTCAATGCAGGTG  
TCACAGGTCTGAAGAAGTTGAAATGAAAGATGCAGAGGCGAATGAGAAAAACATTCCTGTTGTAGAGGATA  
AAGACGGTTCTGATAATTATCAAGCTGAAGATGGAGATAATCCCAGAGGTGAACCCAAGGAAATAGAAAAAG  
TGGATGCTGATCCAGACATAAGCGGTAAAGATAAGACGGGTAAATGATGCTGGTGAAAGTAAAAATGGTCATA  
CAGAAGCCCCGGAAGCCACAGAGAACGTTCCCCAGGTGAAGGAAGGTGAAAAGCAAGACCATGAGAGAGGT  
TCAGATGTAGTTGTTAACTCGGAATTTGTCAAGTATGGGTGAAACAAATAAGCACGGTAGTGAAACCAACGGTC  
AAGATGCGATTCAAGAGAAAACCTGAGGGTTTGAAGAAGCTGAAAAGCAAGGAAATGAAATAGCGGAAGA  
ACATATTACTGCTATTGCTAGTGAGGTAAACCAATCCGAAAAGGAAATGGTGCAAACTGAGACCAAGCAAGA  
AAATGACTCCCAAAGCAACAAAGAAAAACAAAAATGACCATGACAATGTTGGCATTGAACAAGTGAACGGAGT  
CGTGGAGGGAAAGAAACAGAATGATGAGAATGAAGCCACGGCTGTACCAGATAATGAGGTTAAGGGCAATC  
AAGGTGTTTCAACAAATGCTGCAAAAT

>trans\_c\_1477 AF183903|Petunia x hybrida actin-depolymerizing factor 1 (ADF1) mRNA, complete cds

AAGCCGACTTCAACAAAAAGAAGGAACTTCATCATCGTTTTCAACAGTGATTTTCACCAGCACGACACGCTCTT  
CTTCTCTGCTATTTGAATCACTGGCACCGTAATTAACACTCTCAACCACCCAATATAACCTTCTTCCTCCTCCATT  
CGTTCATTTCTCATTGCCGGACTAACACTTCCGATTTCTCTGTTTTTTGAGTTCTTCCGCTACCATCCAAGAAGA  
AAACATGGCCAATGCAGCATCAGGAATGGCTGTGAACGATGAATGTAAGTTAAAGTTTTTGGAGCTCAAGTC  
GAAAAGAACCCATCGTTTCATTGTCTTTAAGATCGAGGAGAAGCTGAAGCAAGTTGTTGTGGAGAACTCGG  
TGGGCCTAGCCAGAGTTATGAAGATTTTGCTGCTAGTCTCCCTGCCAACGAGTGTCTGTTATGCTGTCTATGATT  
TCGACTTTGTGACTGAAGAAAATTGCCAAAAAGCAGAATCTTCTTCATTGCCTGGTGTCTGATGATTCAAAG  
GTCAGAAGCAAGATGATATATGCAAGCTCCAAGGACAGATTCAAGAGAGAGCTCGATGGAATACAAGTAGA  
GCTGCAAGCAACTGATCCAAGTGAAGTGGTCTTGATGTCATTGCAAGCCGTGCCAACTGAACACGAAACACA  
AGACTTTGGAAATAAATTGAAACAGTTAAAGTTTTGTGAGATGGAGGCTTAGATTTCACTGAAAATCTTCTGTT  
CTACTTGAACAAGTATGCAGCTGTGTGTCATCTACTTTCTCATGGTATTTCTTTAACTTGTTATGCAACTCTTTT  
GTCTTGAGTGACCATCTGGAATCTGATTATTAGCTATAAAAGCTAATATTATGTAGCTTGAGGGGTTAGTTGAA  
ACCTTATGCTAATTTCTATTTTGTCTCTTTCTCTTTTTTTCAGCTTTACTTTGAATTTATGGCTTTTGAAGTGATG  
ATGTATTTAATAACATACATTCTTTCTTTAACCCAAACATTATCCTCTCTACTTTTGGGTTATTGTTACTTGGT  
TTGGCAGTAAGTAAACTTGATTGCTTGATTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1478 AY429424|Nicotiana tabacum adenylosuccinate lyase (purB) mRNA, complete cds

ATTCCAATTCTTTGCCGCACCCATGGACAGCCAGCATCACCTTCAACCCTGGGAAAGGAAATGGCAATTTTTGC  
AGTTAGACTAGGTAGAGAAAGGTCGGAAGTTTCCAAGGTCAAGATAATGGGAAAGTTTGCTGGTGCAGTTGG  
AAACTATAATGCACATCTTGTTGCATATCCAAATGTTAACTGGCCTAAAGTGGCTGAAGAGTTTGTGAAGTCTT  
TGGGATTGAGCTTCAATCCCTACGTAAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGTCAAGT  
TGAGATACAATAATATCTTGATTGATTTTGACAGAGATATTTGGGGTTATATATCTTTGGGCTATTTTAAACAG  
ATAACAAAGGTAGGTGAGATTGGTTCTTCAACAATGCCTCACAAAGTAAATCCCATTGATTTTGAAGTAGTG  
AAGGTAATCTTGGTGTAGCTAATGGAGCATTGGCCCAATTAAGCGAGAAGTTACCCATATCTCGGTGGCAGC  
GTGACTTGACTGATTCTACTGTTTTAAGAAATATGGGAGTTGGACTTGGACTCTCTTCTTGCTACAAAAGT  
ACACTTCAGGGTATATCAAAGCTTCAGGTCAATGAAAGCCGTATCAATGAAGATTTGGACCAATCCTGGGAGG  
TCCTTGCCGAACCAATACAGACAGTCATGCGACGATACGGTGTTCAGAGCCTTATGAGAAGCTAAAGGAACT  
AACCAGAGGAAAAACAGTTACCAAGGAAAGTATAAGGAGATTTATTGAAGGGTTGGAATTACCTAAAGAAGC  
CAAGACAAATCTGTTGGAACCTAACACCTCATAGCTATGTTGGAGCAGCGGTTGAATTGGCTAGGGATGTAGA  
CATGGCCTTGAATCTTGTGAACAGAGGTGAGCTCTTTTAAATCCGGGGCATTGATTGACAAGGTCACATTTT  
TGCAAGTGATGTACAACATTTGATGAGCGTACAACCTTTGGTTCTACCTTCGCATTCTATTCCTATTTCTGACCT  
TCTTACAAAATTTGTGTAAGTAAATAATGCATGAAGTTCGTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1479 AL161536|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 36

ACCTCCACATTGCTTCCCATATGCCTCTCTCTTTCATTGGCAGTTTCTTATAATCCTCAAAAAGTCCCCTCTGCGCCT  
CTGATTTTTTATACTCTGTAGTTGAATTTGAAGATTCCAGGCAGTTTGGTCAGATTTTCGATTCGTGGGGTTCTTC  
GGTTTTCTTAAATTTTCATTTGTGGGTTGAGGAACTTAAGTGTGGCCGCCATGGAAGGAGCAGTGGGAGCTG  
AGTTTCAGGATTGGGAGGTGCTGCTCCATGATTTGAACCTCGAACTGCGTTAACTGCGGCTGAGTTTTCCGG  
AGAGAAATCGACCCATTCTGGGGGAATTGAAGGTGAGTCCGATTCTGATAGCATAATTAAATCCGACTATTTTC  
TCTCTTGATAATCAGGGACGGCGAGGGAGAAGTGTACCTGAGCGTGATCTTAATGAAGAGGAGGGCTCGGTT  
GAATCGGATAATCCTAGTTGGATTGATCCGAGTTTCGGAGAATCGATATGGTCGTGTAAATTTCGAGCGAATTAT



GGTCTGATTCTGGCAGTGATAGGTCGGATGAGCGTAAATTTAACGAGCTTGATTGAAAACTGAGTCCGGAA  
TCGCAGGATTTTTCAAGGTGATGAGGAATTGAGTGGTAGGATTCTGAAATTAGAGAGTTTAAAGTCCCATGA  
GAACAAAATCACTGGCTCTGATCCCAATATTGAAGTAGCTTTAGAAGAATTTGACGAAGTTCAATCCCAAAGC  
AAGGATTTGAACAAATTCTGGTCTGAGTCTGGTGAGGATATTGTTCAAATGGCTCAAAAGTAGTGAAGTTGG  
AAGAAGGGAAAGAGCATTGGATGAAAACAAGAATCTCCAAATTGAAGAAACCAAATCAATGCAGAATCCG  
GCAGTGAGGTTGGAGATAAGAGGAAGGTAGTTTGGTGGAAGGTTCCATTTGAGGTGCTGAAGTACTGCTTGT  
TTAAGGCAAGTCCTGTCTGGTCATTCTCTGTAGCAGCTGCTTTGATGGGTTTTATTATTCTTGAAGGAAGCTC  
TACAAAATCAAGAGGAAGAGCCAGAGCTTGACCTGAAGGTTATCTTGGATGAGAAGGGATCTCCAATCCTG  
AGTCGAGC

>trans\_c\_1480 NM\_101788|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT1G19310) mRNA, complete cds

ATTTTTCAAACGTATATTTTTCGGTTTTCCGTCAAACGCGTTCATCTCCGTTTCAGATTTCCCTTTTTGATCCTT  
ATCGGAACGCAGGATCGGTTGGTTTCTTCTTTAATCACTAGGTGGGTTGTGTAGAAATGGCAAGCGGGCT  
TGGGGAATCGACGAGTAGGCAACCTCAAAGTCCTTCTGTTCCGATAACAATGGTGATGCTAGTAATTTTGAG  
TGCAATATTTGCCTGGATTTAGCTCAAGATCCTATTGTAACCCTATGTGGTCATCTTTCTGTTGGCCATGTCTT  
TATAAGTGGCTGCATATTCATTCTCATCCCCAGGAATGTCCAGTTTGAAGGCTATCATTGAAGAGCAAAAATT  
GGTTCCTTTATATGGCAGGGGGAAGACATCGACTGACCCGAGATCGAAAGGTATTCCTGGAATTAATATTCCT  
AATCGTCCTGCGGGACAGAGACCTGAAGCAGCAGGTCTCCCCAGAACCAAATCCTTTTCTCACAATGGGT  
TTGGATTCATGGGAGGACTTGGAGGGTTTGCCCAATGGCATCGACGAGGTTTGGCAATTTACTTTGTCTGC  
AGCTTTTGGTGGTCTTGTCCCATCTTTATTCAACTTTCAGATGCATGGATATGCAGATCCAAGCATGTATGGTG  
CAGGCGCTAACTTTCCTTATGGGTTTCCTAACATGTTTCATGGTAGCCATGGTCATGCCATGGATACTATCAC  
CAGCTTCGTCAAGGTCAGCAAGATTACTATCTGAAGCGCCTGCTTTTGTTGATTGGTTTTTTGTTCTTCTTGCC  
CTAATCTGGCAATAGAAGAAAGAATCCATTAGGGCTTATATTACTTCGTGGTGTTTAGTGATTCAATCTCTAA  
TATAAGAATTAATAAATAATTAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA  
ATTTGTCTTACTGTATGTTGAAATGGTCATCGACTTACTATGCTTAGGCGTGCGAACATGAGCTTACATGCTT  
ATGCAATCGTATTTTGAAGGTTTTCATTTATGCATATATACATCATAACACAGATTTAAAAA

>trans\_c\_1481 GU198924|Ribes nigrum delta-8 sphingolipid desaturase (D8A) mRNA, complete cds

AACAAATTGGCTCAAATTTTGTCTGGAAATTGTTTGACGGGGATTAGTATAGCCTGGTGGAAATGGACTCATA  
ATGCTCATCACATCTCTTGAATAGTCTTGACCATGATCCAGATCTTCAACACATCCCTGTTTTTGCCGTTTCTGC  
TACTTTCTCCGGACTTTGACATCTCATTCTTATGGTAGGAAGTTGAAGTTTGATTCTTGGCTAGATTCTTGT  
TAGTTACCAGCATTTACATTTTACCCTGTGATGTGTGTGGCTAGAGTGAATCTCTTGTGCAGACATTGTTGCT  
CTTATTTTCCACTAGAAAAGTCCCTGATAGAGCATTGAACATAATGGGGATTCTTGTGTTTTGGACATGGTTTC  
CTCTTCTAGTTTCCTATCTCCCTAACTGGCCTGAGAGAGTCATGTTTGTTCTTGCAAGTTTTGCTGTATGTTCTCT  
ACAGCACATCCAATTCTGCCTCAACCATTTCTCTGCTAATGTTTATGTTGGGAAGCCCACTGGGAATGATTGGT  
TCGAGAAGCAAACAAGTGGGACTTTGGATATCTCTGTTTCATCTTGGATGGATTGGTTTTTTGGTGGATTGCA  
ATTTAGTTAGAACATCATTTATTCCAAGGATGCCAGATGCCAGTTGAGGAAAATCTCTCCAATCGTGGTCG  
AACTTTGCAAGAAACACAATCTTCCATACAGAAGCTTGTCATTTTGGGATGCTAATGTCCGCACCATTAGAAGT  
CTTAGAACAGCTGCTTTGCAAGCTAGAGACTTGACCAATCCTGTTCTAAGAACTTGCTCTGGGAAGCCGTGA  
ACACTCATGGATGAAGATGAAGTTAAAGATGAGGTCAGATCCTTCATAGTTCTTATCTAGACTTCTCAAGAAC  
GGCAGCAGGTTCTTTTTTAATTTTTTCTCCTCCCTTTGTTTGTTATTTTATGATGGGCTTACTGTTATTTTC  
ATATTATGGGCTCTTAGGATATGTTTGAAGCTGCTTAAACATTACACTCAGCTTCCTCTTGTGGTCTTTTA  
TTTGATTACCGTAAATTTGCCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1482 Z73951|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB11C

ACGACAACCTCCACCAATCTTCTCTCTGTTCTGTCCCTAACTTCCCTCTTTAATTCTCTCTGCTCAATTCATTCCTTC  
GATTCTTCCGCCGCCGTCGCCGCCGCCGTA CTCAACTTTCTTTCCCAACCAATCTCAAACCTCATCCTCCAT  
TCCTTCGCCTACAGTTTTGTTTCGAGAAATCTGGGGCGGAGACTGCTATGGCTCATAAGGTAGACCACGAGTAT  
GACTATTTGTTCAAGATTGTTCTGATTGGGGATTCCGGCGTTGGGAAGTCCAACATTCTTCGAGATTACTAG  
AAACGAGTTCTGCTTGGAGTCCAAATCCACCATTGGTGTGAGTTCTCGACCAAGACTCTCCAGGTAGAAGGA  
AAGACAGTCAAGGCACAGATCTGGGACACAGCTGGTCAGGAGCGATACCGTGCGATTACTAGTGCTTATTAT  
AGAGGAGCCGTTGGTGCTCTCCTTGCTATGATCTGACAAAGAGACAGACTTTCGAGAACGTTCAAAGGTGGC  
TTCGGGAGCTGAGAGATCATGCAGACTCTAACATTGTGATTGTTATGATTGGAAACAAATCTGACCTAAGTCA  
TCTTAGATCTGTCTCGGAGGATGATGGGCAGACCATGGCAGAGAAGGAAGGTCTTTCGTTTATTGAGACATC  
GGCCTTAGATGCCACCAATATCGACAAGGCATTCCAAACCATCTTGACAGAGATCTACCATATCATCAGCAAG  
AAGGCATTAGCAGCCAGGAAGCAGCTGCTAGCATCACCCATCTGGACAAGGAACAACCATCAACGTTTCCG  
ATACTTCTGGTGACTCAAACAGAAGGGGTTGTTGGTCTTCGTGAGCAGATACAGAACGATAGAAGTATGATGTT  
CACATCAAAGGTTTCTTGTGTCTCTCTTTCCTTTATATTATAATTGATCTGTTTGTTTTTTTATCTTCTGGAT  
TTGGAGAACTAGGAAAGTGATAGCGTATTATAGCGGGCATGTAGAATGATTATCTTACTCGACCCCTCGGTT  
TATCTCATTAGCAAGCGGTTAGTTATTTTGAGCAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1483 NM\_001053563|Oryza sativa Japonica Group Os02g0533000 (Os02g0533000)  
mRNA, partial cds

ACGTAATTCAGAGAGAGCAATGGCCATTGGATTGGGTGGGCTTAATCTTTTTGGTGTAATAGTCCTCGGAGCC  
ATGTTGAAGGATGTTGCTGTAAAGCCAAGTGGCCTTATTAATTTGTCTCAGATATATTTCTCTACTGCAGAT  
ATATGCTGGTTCTTTCTTACAATTCCATTGGTACGGTGGTTCATTATCCAGAAGAGGAATGCTGAAATAGGAA  
AACGAAACGAAGCAAGGCAAAAGCGTGCTCAAGCCCTTGAAGTCCCGGACATGACCCTCAGACGGAAGCTCC  
TCAGTGCTCGAGACATGGCCCAAAAACTGTAATCAGTCCAGATCGAATTGTATATAGTACTGATCGAGATTT  
AATTGAGCAAAATTATGAGCTCCAAGAATGGGAAAGGAAGTTTCGAGAGATAGAAAAGTCAGATTAGAGAAT  
TGGAAAGTTCTGTGATTTCAGGTCTTGACAGTGTCTCCACGGATACGTAGTTGTTGTTGGGTTGGGATTTC  
CCAAGCTGTTGATTAGCCCGGATATGGGGCTGGTTTCAATTTATTTGGTGAAATGGATTCTCTGTTTGAGAAA  
GTGGTGAAGATTGTGATTCTGCTTCATAACAGAGCTTTTTTTGTTATATAGGATTAGACTGCTTGATTGTAAAT  
TACTGTATAAAAATTTGATGGGGGCAGGTTGGGGGAAGTGGGGATTGATTCTCTTTCCATTTTAGCACTGT  
AAAATTAATAACCAATTTGAAAATATAACACAGAACAATTCGCATCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGGCGG  
GACCCCATTTCCCCAAAAGGGGGTCTAATAACCCGCCCCCGGGGCCCTTTTTAAACCGCGGGGGGGGG  
AAAACCCGGGGGTTTCCCCATTTATCCCTTGGGACCACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAAACAAAA  
AGCCCCCCC

>trans\_c\_1484 AL161573|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 69

TTCATCAGGTAGTGATATCGAGCTTCAAACCTTGAACAGAAGCATTCCGTTCTCTATTCAAACCTACAAGTTTGC  
AGAATGGTATTTCTCTCCAATAGTCAAAGATTCTCATGATGCTGGTGCATCCAGTTCAACTGGCCATTCCCTA  
CACAGCATAAGGCAAGCATTCTCACTGGAAATGGTGAGCAATGTGGGTTCCAGCCTATGAATCCTGGAAACT  
TGCTTTGATGTTTGGCAATTCTTCTAGCCAGCTTCAAACCTTAGATAAAGATAGTTCCCGGGGTTTGATTCCC  
AACCACAGTTGCATAATCCCTGTAGCAGAAGTCAACCGTCTTCAGGAATTCTTCTAGTTCAAGTTGAGGTTACT  
CAATATGATCCCAGGACGTGAGAACAGAGAAAGTTGATAATAATAGCAGACAGCCTACTGTTGAAGAAGGG  
TCCTCTTCTCAAGCAGGGGCAAAAGGAAGCAGCAGTAGCCTTGGGGTGAAAGATTCATCAGAACAGCCGGGC

AGAGGTTTGTTC AATGAAATTTCTGCTATAAAGCCAGGTCTCGATGCTGATGTCAAGTTTGGGGGATCTGGTT  
CTTCCCTAATCTACCTGGGTATCTACCACGGGTACCGGTCCAAATGGTCGAACTATTTCTGGTGTGACTTAC  
AGATACAATACAGACCAGATCAAGATTGTCTGTGCTTGTGCATGGTACCCACATGTCTCCAGAGGACTTTGTTCCG  
ACATGCTAGTGAAGAGCTCGTCAGTTCGGAAAATGATGCTTGTGGCTCCATTTTCAAGTAACAATCCTTCAA  
CCTCTACACAAAGTTGACTCATAGCATCTATGTTTGCATAGTTAGGAATTCTGTTGTGGATTGAAATCAACTTCT  
ACACAAAGTTTGA CTCATAACCTCTATGTTTTTGTGTTGAATAGTTGGGAATTCTTGTGGATTGGATTAAACA  
ACATTCCTCGTATTATCCCCTTCCAAAAAGATCACTTTTCTCATCATTTTATTTGTTCAAACTGGAGAAGTTCTG  
TTTAAACAGAACCAACTGAGTTTGTACAAGTTTGAGAATGACAGTATAACATCCAATGAAGTTCAC

>trans\_c\_1485 EU747715|*Lamium galeobdolon* indole-3-glycerol phosphate lyase IGL1 mRNA,  
partial cds

CCGTATTTACCTCCCAAATGGACACTGTTTTGAATTCTTCGAGGTTATTTCAATTCAACAAGATACCCACTACCC  
TTATCTTTCCCCCTCATCCTTGTAAGATTTCAGTCTTTCAATCCAAGCGGGTTGTTCCAATGGCTTCCCTTACAGC  
TTCCTCTGCTGTAGGACTGTCTGAAACATTAGCAAATTGAAGGAACAAGGCAAGGTTGCATTTATTCCCTACA  
TCACTGCTGGTGATCCTGATCTTTCCACCACGGCTGAAGCACTGAAGGTGCTTTCCACTTCTGGATCAGATATA  
ATCGAACTATGTGTTTCTTATTCGGATCCCTTGGCAGATGGTCCC GTTATACAGGCTGCAGCGACTCGGCCCTT  
GGCTAGGGGTACAACTTTAGTGCAATCATTTCTATGCTGAAGGAGGTTATTCCTGAACTGTCTTGCCCAATTG  
CCCTTTTTTCACTATAACCCAATTCTTAAGCGTGGCATTGGAACTTCATGTTGACAATCAAAGATGCTGGT  
GTACAAGGTCTTGTTGTTCCGGATGTTCTTCTGAGGAGACTGAAATTTGAGAAAGGAAGCTGTAAAGCACA  
ATATTGAGCTGGTGCTCTTAACACACCAACCAAGAGATAGGATGAAAGCCATCGTTGAAGCTTCAGAA  
GGGATTTGTATATCTTGAGCTCTGTTGGAGTTACTGGCGCTCGTGCATCAGTGAGCAATAAAGTTCAAAC  
CTCCTTGAGGAAATTAAGAGGTAACAGAAAAACCACTAGCAGTAGGATTGGTATATCGAAACCCGAGCAC  
GTGAAACAGGTGTCTAGCTGGGGGGCTGATGGTATCATAGTTGGTAGTGCAATGGTTAAGCTGTTGGGAGAA  
GCCCAGTCTCCTGAAGAAGGATTGAAGGCACTCGAAACTTCACCAAATCCTTAAATCTGCACTCTCCTGATA  
AATTTTGAAGGGATAACTTAGGCTGTTCTTTTCAATTTGTAACAAAAGATCAACTAGGCTCTGTTACTGAAGCC  
TGCTAGTGCTAACCCCATCTTTTAGTTTTACTTGAGATTTCTTTTAGTTCTTTTAAAGGACTGTCGG

>trans\_c\_1486 DQ912946|*Gossypium barbadense* PDF mRNA, complete cds

ATCCATCACCATTAAACATTCCTTCCCTTCTTTCCCATCTCTAATCCCTTTGCTCCCAATCAGAAAAACAGCCAACC  
AAAGAAACAACCATGAGAAGCAAACAAGCTTCTGCTCTCCTTTTCACTTTGCTTGCTGGGCTGCTTTCTCAAAG  
CCTACTCATCCCTGTATTGTCCACCTCCATTACTGATCAGAAAAGCTACTACTCTCCTCCAGACCCACATTCTGG  
ATCTCCTCCATCAGGTTACATGGCAGTCCATCCCACCATCACATGGTAATGGAGGAACGCCACATTACTCCA  
CACCAACACCTTCCACACCGTCTGGTGGCGGTGGATACTACAACCCTCCGTCTTCTGGTGGTAGCCACCAAGC  
ACCCCTGTAGATCCAGGCACTCCTAGCACTCCAAGCACTCCTAGTGTTCTAGCACACCAAGCACGCCTACCAT  
TCCCCTACTCCATTTACCTGCAATTATTGGCTGAATCATCCAGGATTGATATGGGGAGTATTGGGATGGTGG  
GGAACATTAGGAAATGCCTTCGGAGCAACCAATGTCCCAGGGTTTGGAACAAATCTCAACTTGCTCCAAGCAC  
TTTCTAACACAAGGAATGATGGGTATGGGGCCCTTCTCAGAGAAGGAACTGCTTCGTACCTCAACTCTCTTGCT  
AGTAACAGATTTCCCTACACAACCAAGCAAGTTAGGACAAGTTTCGTCTCAGCACTCAGCTCCAACAAAGCAG  
CAGGCGATCAGGCCAACACGTTCAAGTTAGCCAACGAGGGCAAAATTAACCCAGAGCTTGATTTCCCCTTT  
TTTCTACCATTTACCATCTAAATAACTAATGAGTGTGCCTTAGCAGTTAGTAGTGAGACAGTGAGACCAATTT  
ACCATTCATGTGTTGTTTGTGTTTATTTGTTCTTGTTCTAGTTTCTTGCAATCTCTTTGTTTCATGTATTTGAA  
CATAGAGATGCTCAGTCTTTGTTATCCAAATTCATTGTGAAATCAAGATTGTTTCAAGAGCTAAATTTGTTTAAT  
CAGATTATCCAAAAGGGGGTTGAAAACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1487 NM\_119474|Arabidopsis thaliana XI-I; motor/ protein binding (XI-I) mRNA, complete cds

CGTTCATCAATATTTCACTTTTTAATAGCCTTCTTCTACGACGTGAATGTTGCACATTTTCAAATGGGGAGTACG  
TAAAATCTGGTCTTGCAGAACTAGAGAAGTGGATTGGCAACGCAACAGATGAGTATTCAGGGACCTCTTGGC  
ATGAGCTAAACTATATAAGGCAAGCTGTCGGGTTTCTGGTAATACATCAGAAGCGAAAGAGATCGCTAGAAG  
AGATAAGACAGGATCTTTGCCCCGGCATTGACAGTGAGACAAATTTATCGCATTAGTACTATGTATTGGGATGA  
TAAATACGGGACTCAGAGTGTGTCAAACGAGGTGGTTGCTCAAATGAGGGAAATTCTAAACAAGGACAATCA  
GAACTTAACCTCAAATTCATTTTTATTGGATGATGATCTAAGCATCCCATTCTCTACTGAAGACATCGACATGGC  
TCTTCCGGCCATTGAACCTTCAGACATCGAACTTCCCACTTCTGTCCGAATTTCCCTGTGTGCAGTTTCTGGT  
CGAGCAGCAAAAGTAGTTAGTTAGCTTACAACAACACGTTAACATACGATGAGATCAACTAATCAATTTAATA  
CTTCCAAGTAGATCTTTTTCAATTGGATATGATCTTTCATTATATCATCAAAGCCTCTTGCATATGCTTGAAGA  
CGTCCAAATCCATGCATGCTTCAAATTTGGGCTCAAGATTTGTCAATTGAAAAGCAAAGTAACTGATTTTCGA  
CTTCTCTCGAACTTTGTGCAGATGAAGACTAGTCTCGTTTCTCCATTCATTCAATTAACGTGGCTGGTAGTATAT  
AGTACTTCCAAGAAATAGGAAAAAGAATAGCTGTGCTAGGAAGGTTTCCATCCATGTGAAGCTAACTCATTTTC  
TTTTAATTTGTAATTGATTTCACTTGAATCCATTCATTTTGTATTATGATGCTGAGAATAGCAGTAGCAGTGTA  
TGTAATATGTAAATCTAGGACACTCCCAAAGCTTTAGAATGGGACATTGTTAGGATCTAATGTTAGCTTGA  
ACATTTGCTGGATGTTCAAGTCAACAATACATTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1488 NM\_001052885|Oryza sativa Japonica Group Os02g0227100 (Os02g0227100)  
mRNA, complete cds

TGGAGCTTTTGTGCTTTCAGTCACCGGTTGACATTTATTTCTTTTGGGCCATACCCTTTCTATTGGTTGTTTGA  
GACTCCATGCCTCTACATGTGAGACCTACAATTTCCCTGTAATTTCCCTCTTTGAAAAATAAGCAACCACTCTTG  
GAATTTTATCTTCTTTTATAATTGGATGCCTATAAAAAAATGTTCCACAAGAAATGTCCGACACTCAAGGTTAT  
TTATATTCAATTCAAAGGGGTTATCTTACATAAATACATTAAGGCTCAGGCCATCAAAGCACCAAATCTAAT  
CAAATCTTCTTTTGGTTCCTGTTCTCTTCATCTTCTTCATTATGGGTGAGTTACAGAGATTTATGCTTCATCAA  
CCATGTTTCACTACACTACACCAAGACTTCCATGAAGATTTAGAAGATCATTGGAGGATCACCAAGGGAGGTG  
ACCAGTACAACGTTGCATCTTCAACATCTTCATTTGAAGATTCAACGATTTTCGAGTGAATCGCTATCTTCATCAG  
ACTTGGCAGACGATGCGTGTTTCATCCACTTCAAATCTTCATCTCAATCTAATGGCCCATTGGAGGATTTTACA  
GATCTTTTTGCTCAACTCCCAATCAAGAGAGGACTATCAATGTTCTACCAGGGAAAGTCTCGGTCTTTTACATC  
TCTGTCAAGTGTAAGAGCATAGAAGACATTCCAAAGAAGCCAAATCCATACAGCAGGAGATTGAATACATG  
TAAGAGCTATGCAGGTGGCTTGGACACCCACAAGTCTTCTATACCCTTCCAAAGGCTCCAACTTTTAAGAAG  
GCATCAAAGAGCTCTCTGTCTTTGTCCACGTAAGGAGAGGCAGTAATTTGGCTGGTTGTAGACCTCTCCCAT  
TCCTATATATGATGAGAGCTTTTGTCTTTGAGCACCGCCACCATTAAATTGGCCATTATTTCCACTTAACTTTT  
GCTTGTACAATAGAAATGCAAATGAAAATCATGTTAGCCAATTTTACTCTCTCAGCATTGATGAGAGTTTCTA  
ATAGAAACTACTACATTTCAATTAATAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1489 NM\_001051752|Oryza sativa Japonica Group Os01g0920100 (Os01g0920100)  
mRNA, complete cds

CCCTCAACAAAACATCCTCCTCTTCTCCTCCTCTTCTTCTACCCTCTTCTCTCTAAAACCTCATTTTCGTTTCTCC  
ATTTTCATTCCCCGATGATCGCACTACCATCAACTTAAGGTGAGATCAAACCCCAAACCACTCCATCAATGGG  
TTCCTGTGCTTCAATCCACAGAAATCCTGATTCCGCCATGAAATTCAAACTCTCACTTGCTTCCAAACCAACGA  
TATGGCAATTCTCCTTCACCCATCAAACAAAACAACACTCCCATCAACCCACCGTCTTTCACAAATCTCAGAC  
CTCCCTTCTCACTTGGGTAGCAAGGATGAAGCGTTTTTTGATTACGAGGCTGGTTGGATTCAAGTTGTGAA  
GATGATTTCTACAGTGTTAATGGCGATTTCACTCCTTCACGAGGAAATACTCCGACACACTCCAGCTTCTCCTCC

GGTACCCCTCGGATCAACCAAGTTCATGGCATTGACGATCAGACTCCAATCACCATTCCCGAACCATCGCCAAC  
AGGAAAGAAGAACTGGCTGATCTTTTCAGGGAGAGCTCTAGAAATGGCACTGACAGACAAGCCAAACCAAC  
TCTAAATGAACTCGCCCTGCAGTCGAATCCTGAAACACCTTACGTGTCAGGAACAACTCTGTATGTAGCAGT  
GAGAGGACCCCAAATGGAGATGTCTGGGCTGAGAAGGAAAGGCCATTTGGATCAGTACAATGCTGCCTCCCA  
AGTTTGAGATCATGTCATAGCTTTGGTGACCGGAGGAAGAAGGCGAGTCCTGCCATAGCTGTGTAGTACAAG  
CTCTGATCCAACATGCCATAAGCTGTGAAATTCCCCTCTGGTTCTGCCATTGTGAGACCCTTGCTCATGGAGTT  
CACAATTGTTGAGAAATATGTAAAGTTCAGAAATATTCGATGCAGATGCAGCAGCAGTGTTCAGAGCTATTG  
CTGTTGTTGAAGGCAATGCTTATATATATATAAATATATAGATACAGATATGTTAGATTCTAGTACAGTGTTT  
CATATCATATGAGAATATGTGAGAAAACAAAGAGGAGAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1490 Z29592|V.faba mRNA for guanine nucleotide regulatory protein (807bp)

ATTACATCGTTTTTCACTTTCTTTTCTTTTCTCACATTCATTCTTCGCTCTTCCCCTTCTCTGTTCTTCTTCTTCTC  
CTCCTCTTCTTCTTCTTTTCTTTTCTTCTTCTCATCTTCTTCATCCATCAAGTTTTAGTAAATCTAACCAACAATGGCT  
GGTTACAGAGCTGATGATGATTACGACTACCTATTCAAGGTCGTTTTGATTGGGGACTCCGGCGTCGGTAAGT  
CCAATTTGCTCTCCAGATTTACTAAGAACGAGTTCATCTCGAGTCCAAATCCACCATTGGTGTGCGAGTTCGCT  
ACCAGGACCTTGAACGTCGATGGCAAAGTTATCAAAGCTCAGATTTGGGACACTGCTGGCCAAGAAAGGTAC  
CGTGCCATCACTAGTGCCTACTATCGTGGAGCGGTGGTGCCTCTTGTATATGATGTCACTCGTCATGCAAC  
ATTCGAGAATGTGGACCGGTGGCTAAAAGAATTGAAGAACCACACAGATTCCAACATTGTGCTGATGCTTGT  
GGAAACAAATCTGATCTTCGCCACCTGTTGCTGTTCCGACAGAAGATGGTAAGTCCTATGCGGAAAGGGAAT  
CACTGTACTTCATCGAAACCTCTGCACTAGAAGCAGTCAATGTGGAGAAAGCATTGCTGAGGTCTAACTCA  
GATCTATCACATTGTAAGCAAGAAGGCCGTTGAAGGAGGAGAAAATGGATCTGCTTCGGCTGTCCCTGCCCA  
GGGGGAGAAAATAAACATCAAAGATGAATCGGGTTTAAACAGAATGAAATGTTGCTCGAGCTAAATTCAGTA  
ATAATCTGTGTAGGTGATTTGAATTGGATGTACTGTGTAATATTTTTTTTTCCCCTTGAAGATGGTTAAGAAA  
GAGGAAGATATATCCCCAAGACCCTGAATCTTTCTGTATTACAGAAAAAGAAGAGTACCTGAGCCACATGAT  
TGGTTTGTGGTTGCTGTTGTGTCCATCATTATTAGCTTCTACCAAAAAGAAAAAAGAAAAAATATTGGTTACA  
AGGTTGGTTTCTTTGGTAAAATGTCCTCCATTTTAGCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1491 XM\_002870040|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATP5S, mRNA

CTGGATCAATTAGCATGAATCCAACCTTCAGAAGCCCTTGAATCTTGAACAACTTGTGCAAAGATCCTAAAAAT  
GTTGTGTTCTTGTAGTGGGAAGGACCGAAAACTTTGACTGAATGGTTTTACCATGCGAAAAGCTTGGAC  
TAGCTGCAGAACATGGTTTTATCTTAGGCCAAATCAAACCTGCAGATTGGGAGACGTGTGTGGCTGTGACCGA  
TTTTGACTGGAAACAGATTGCAGAACCCGTTATGCAATTGTATACTGAGACAACTGATGGCTCTACAATTGAA  
ACTAAAGAGAGTGCCTTGTGTTGGAACCTTTATGCGGATCCTGATTTCCGGTCTGCCAGGCCAAGGAAC  
TTTTAGATCACCTTGAAGTGTTCTAGCCAATGAACCAAGTTTCTGTCAAGAGTGGCCAACACATTGTAGAAGTC  
AAACCTCAGGGTGTAACAAGGGCATTGTAGCAGAATATCTCTTGCAAACAATGAAGGAGAAGGGAATGCTT  
CCCGATTTTGTCTATGCATTGGAGACGACAGGTGACAGGACATGTTGAGGTGATAATGAATGCAAAA  
GCCAGCCTTTCTCAGGTGCCGAAGTGTCGGTTGCACCGTTGGCCAGAAACCGAGCAAGGCCAGGTATTACT  
TGGAAGACACACACGAAATCTTGAGAATGTTACAGGGTCTTACCCACGCGTCTGAACACGCCACTAGAGCTGC  
TCCACAGACAACGGCTCGTAGAGTGGTAATCGCAGAGAGTAAATAAGTAGGAATAATCTTCCCAATTCTCTC  
CTCAAAACCTGAAAAGGTCTTTGTTATTGTTGTGTATATGAAGTTAGCTGTGTTCAAAGTCTCTGTTATTGGT  
GTTTGAGGGGCCTATGAAAGGATCAAATATTTTGATGTTTTATTATTGGTGCACCATCTTCTGTCCATGGCC  
ATTTGAGTTAGGAGAAAACTAAACATTTCTGCTGTTCTTGCAATTAATGTATGTAGTTTTGACTGCTATTGGGT  
GGAATTGTGTAATGCATTTTATCAGTTTCTACTACCCCTTTCTGTTTATGAACCGAATGAAATATGGTAAATGAC  
A

>trans\_c\_1492 AF180143|Glycine max ubiquitin carrier protein 4 (UBC4) mRNA, complete cds

AACCGCTTTTGCGGGTAAGAAAAAGCCTTCATTCCCTCTTCCTATCGCTTCATTCCCTTTCCTTTCTTTCTT  
TTCCACTTTCTCTTACCCTCTTCCCCTCTTCTCAATCCAATTCCATAACCATGTCTTCTCCAAGCAAGCGACGTGA  
AATGGATTTGATGAACTGATGATGAGTGATTACAAGGTGGAAACAATCAATGATAGCATGCAAGAGTTTTAT  
GTGGACTTCCATGGACCTAAAGACAGTGAATCATCTATACCCATCTTTGATTTTTCCCTTTTTTTGTGATTGTTT  
TTCTTGTGAATTTAGGATTAACCTTCTCATATCTTACTTGGGTTTTGTTGTTGATTTTGTGATTCTGTCTCTTTAG  
GATTTTCCCCCTTTTTGTTGATTCATTGTATTGAGACATGTTTGGATACTTGCCTTTGTTGAATCAACCAAACC  
TGCAGTTTGGGTCTTGATTTTCTAAGCTTGTTGTGTGGTTGACTAGTTTCAAATTGTAGTTTGTCTTCTTAAC  
CTTGAGTTTGTGATGGTTGCTGACTTTCCATTTGAAATTAAGCCAGTTCAAGTACATTTCTAGGATTAATTAAG  
GCTTTGTGATCTTATCCCTTTTTCTTTCTTGCTTGTGTTTGGTTGAACTTCAAGGTCTTTACCAAGGTGGTGTTT  
GGAGAATTAGGGTTGAGTTGCCAGATGCTTATCCTTACAAGTCACCTTCAATTGGCTTTGTCAACAAAATTTAT  
CATCAAATGTTGATGAAATGTCGGGCTCAGTCTGTTTGGATGTTATCAACCAGACATGGAGCCCTATGTTTGA  
CCTTGTAATGTTTTCGAAGTGTTTCTTCCACAACCTTCTCCTGTATCCGAACCCTTCGGATCCGTTGAACGGAGA  
AGCTGCTGCAGTAATGATGCGCGACCGCACTGCATATGAGCAAAGAGTAAAGAATACTGTGAGAAATATGC  
AAAGCCAGAAGACATCGGTGCTGTTCTGAGGAGAAATCTAGTGATGAGGAGCTGAGTGAAGATGATTATTC  
CTCAGGTGATGAGGCCATGGCAGGTCAAGCTGATGCTTGACTTTAATGGAAAA

>trans\_c\_1493 NM\_001065014|Oryza sativa Japonica Group Os06g0700500 (Os06g0700500)  
mRNA, complete cds

GATGCTGAGATCGCATCACGTATTGTTATTAGAGAAATTTGAACACACCATTTGTTACAGCAAATACACCCAA  
AATTGCATTCTTATTCTTGACTCCTGGTTCCCTTCTTTTGAAGAGCTATGGGATAAGTTCTTTCATGGCCATGA  
AGGGAAATTCTCTGTTTATGTCCATGCGTCTAAAGAAAAGCCAGTGCATGTTAGCCGTTACTTTGCTGGTCTGA  
GAAACTCATAGCAATGAGGTCAATTTGGGGTAAAATTTCCATGGTTCGACGCTGAGAGACGATTGTTAGCAAAT  
GCTCTCCACGATCCTGATAATCAGCACTTTGTTTTACTTTCTGATAGTTGTGTACCATTGCACAATTTTGATTATA  
TTTACCAGTATTTGATCAATACGAATATCAGCTATGTGGATTGCTTTAACGATCCTGGTCCACATGGAAACGGG  
AGATATTCAGAGCACATGTTACCTGAAATTGAGATGAAAGACTTCAGAAAAGGTGCTCAGTGGTTCTCAATGA  
AGCGACAACACGCTTTGATTGTTGTGGCCGACAATCTTACTACTCAAATTTTCGAGATTATTGCAAGCCAGGT  
GTGGAGGGACACAATTGCATTGCAGATGAGCATTACTTGCCCACATTTTCCATATGACAGATCCTGGAGGGA  
TAGCAAATGGTCAATTACTCACGTTGATTGGTCTGAACGAAAGTGGCATCCAAATCGTATGGTGCTCAAGA  
TGTTACCTATGAATTTTGCAAATATCACGTCGATCGATGTTAGCGTACATGTTACGAGTGACGAGAGGAAG  
GAAGTGCAAAGATGGCCATGTTTGTGGAATGGTGTACAGAGGCCATGTTACTTATTTGCAAGAAAGTTCTATC  
CTGAGGCTCTAAATAACCTTCTGAATCTTTTCTCAACTACTCTTCATTTTCAGCCTAAATTTTTTACCTGATAT  
TCTTTGATCATATCAGTTGTTGCTTCGAACACACCCATCCGCTCTTACCACGAAAGCTTAGAGGCGAGAAACGA  
CACATCTAGAATGCTATAACAGAGCCTACCATTGTTTGTGAGATTGAAGATAGAAGGGAAAGAGGG

>trans\_c\_1494 BT008854|Arabidopsis thaliana At1g80360 mRNA, complete cds

ATCCTGATCCAGATTGGTTAGAGAAGACACTGTCTGAAGTCAAACCGACCCCTAAACTCGTTACTGTCTGTTAAT  
CCTGGGAATCCATCTGGTACCTATATTCCGCAACCTCTTCTTAAGGTTTCCATCTCTTGTCTCCCTATTACTCCTG  
CTATCAATATGTTTTACATGCCTTAAATTTTCTTTTCTTTTCTTTTATTTGTTACCTGAATCTACTCTT  
TGCTGCTTTTTATGGACTTGCATAGAGATTAGCAAATATTTGCCAGCAGGCTGGATCTTGGTTTGTCTGGAT  
AATACATATGAGTACTTCATGTTTGTGCTTAAACACTGTTGTGTGGAAGGGAATCATATTGTCAATATATT  
CTCCTTTTCAAAGCCTATGGAATGATGGGATGGAGAATTGGATATATAGCATACCCTACAGAAGTTAAAGGC  
TTTGAGACCAACTTCAAAAGTTCAAGACAACATTCCATTTGTGCTTCTATATTGTCACAGCATCTTGCTCTC  
AATTCACTGAAGCTAGGCCAGAGTGGGTCACTGAGCAAGTAAAGACCTTGTGAAGTGTAGAGATATCATT

CTACAAGCACTCTCACCTCTTGGACAAGATGCTGTAAAAGGAGGGGAAGGTGCCATATACCTGTGGGCCAAG  
CTTCCAGACGAGTTCGCTGATGATCATCAAGTCGTTCTTTGGCTCGCTCGTCGACATGGGATAGTTGTGATCCC  
CAGATCTGCGTGTGGGTACCAGGCAATGTCCGGATCTCATTTCGGAGGACTTGTGGAGGACGATTGTCGAGC  
TGCTGCGGAGAGGTTGAGGAAAGGTTTGAAGAGTTGTGCAGTGCTGGAATGGTACAGTGTGAAGATTCAT  
GAAAAAGTTGATTAGAGATTCAACTTGCTGTCAATTTGAATAAAACCTTTTAGTCTTTCCACCCTATTGGCTTAC  
CACAAAAAGAAGTTAGAATCGGGTAATAATATTTATTGAAAATGTGACACAAAACATCAATCACATTTTCAT  
GACTCTTGTATATAAAATTGTCTTCTTCCACAAAAA

>trans\_c\_1495 NM\_001065120|Oryza sativa Japonica Group Os06g0715500 (Os06g0715500)  
mRNA, complete cds

AAGCTCTCTCAATCATGGCGTCTATGGCCTTCAGGATTTTCTTTCTTGGCTCCTTCTACTTGCCTCGCCTTTTCT  
CCAAGTTGTTAGATGTCAATCGGATGCGGAGACGGAATCTGAAGAGGCCGTTGTTGATGATGCCACTGACTT  
GGGGATCGTTGGGGAGGAGGAAGTATAGTTATGGTGTATGGGAGCTTCAGCGCTGCCCCAGGGGTTGATACCG  
TGTGTGTTTTCCCAAAAATAGCGCACGTTTAGTAGTGGCCGGAGAAGCGACCGAAATATTATCAGGAGTGA  
AAAATAATGGGGATTCTAGCTTGAATGTCCTTGAATAAAGGCGAGTGTTCACTTTTATCACCATTGATCA  
TTGATTCAAATCTTTCCGAGTGAATTTTAAACAATGCATCAGTACCAGCATCGTCACAAGCACTTTCCACAC  
CTTTTGCAGTCAGCAATATCTCCAGTCTGGAAATTTGATCTCGTTGGAACCATTATCTATGAAATAGATCA  
GCATCCATATCAAAGTACCTTCTTCAATGGTACCATTGATGTTGCTGAAGCTGGTGGTTTTCTCAGCATTGAAT  
CTGTATTTCTAGTTACCCTTGAATTGCACTTATCGTGCTGCTTGGTTTATGGATTGATGGTCAAATACAGAATC  
TTTCCAAGAAAACCAAGAGGGCTCCTAAGTTGAAGTTGGAACCAAGTCTCAGATGCTTCATTAGACGAATG  
GCTGGAGGGCACTGCTGCATATTCCGGGTCATTGTCAAATAAATCAAAGAAAAGAAGTAGATCACACCTTTT  
TCTGCCTTTACTCGACACGTACCAGATACGAGTCTCTTGTAACTCACAATTAAGCATTGATTTGAATTGTTAAGA  
GGCGCATCTTATATCAGTTTTTGGAAAGTAGGCTAGTTTAGACTTTTGGAGAAGTTGAGTTATTTGATAGAGA  
TCTTCTAATTAATCAAATTTTGAACATTAATTGTTGTTCTTAAGTTACTTCTTGATCGATAACTTTTCTTTAT  
TCCATCTATAGATACCACAGTGTTTTATGCTTACCCGAAAAA

>trans\_c\_1496 DQ267932|Capsicum annuum ERD15 mRNA, complete cds

AACCTCAGCTTCCGTAGTCCCTAATCTTCTGCTTCGGTTCTTCTAACTCTCATCACCATCTTCTTCTTCTCATT  
TCACTTTCTTCTCACTCCATCGAACATCTCTTCTTCACTCTAACGGTTTGTGGTCTGTAAAGGCTTTTAGAGCTG  
CTGTTCAATAAAAGAATTGGCTAGTCTAGAGTAAGGATGACATTATTGTCTGGAAGAAATTTACTGAACCC  
CAACGCTCCAATCTTCATTCTTTTGCATTCGCAACGTCGAGGATTTCTCTCAGAGTGGTGGGAAGTACTAGTCA  
AGACATCTCCATGGTTTCGGGATTATTGGCTAAGCCAACATCAGGAAGATGATTTGACAGCATTACTGATGA  
TCTAGTCACTACAGAAGAGTTTCTTGAGGCTATGGCTCTATATGAAGCAGATGAGGAACCTGAAGTCAAACCA  
ACGGCTCATAAGATTCTCACAAAAGGTGCAAGTAATGAAATGGATGCGAAAAAATTACTGAAGGATCTAGTC  
ATTCAAATCTCCAAAGAACAAGGTCCAAAGTCTCCAATTGGTCTGCTAAGTACAATGAGAAGCCAGCCA  
AGTGCATGAGCCCAAAACACACTCCAAGGTTCACTCACCAGCCTCGTTGAAAAAGAGATTCTACTCGTTACT  
GGATTGCTATTGCAGCAAGCTCATCAAACGAGTGAGTACAATTGTTGTCATCCGAGTTGTGCAAGTTTCACTTA  
ATAATGATGCATTTTCTTCATATTAGCAGTCAGTCATTCACTGCCCTCGCTTGAAGTGATGCAAACTGGAATA  
TCGGATTGTAGCTGCAGCGAGCGCATGGAATGAGTAGAATCGTCTTGTCACACAGGCTTTAAGACAAGTAG  
AATAAAATTTGACACAAGTCTTTCATCAATTCATTTTGTATGTATGTATGAATGATGTAACAAGTTATAT  
GTATAAATATCCGAGTCTTGTAGTCTTCTGTACAGATCTAGAGTACTTTCTGGTCTCTGTTTCAAACCTTACC  
ATAATATCATTACTCAATAAAGAGCTGTCTGTAAAAA

>trans\_c\_1497 AF527796|Cucurbita maxima cell-autonomous heat shock cognate protein 70  
(Hsc70-3) mRNA, complete cds

ACAAGCTGCCATCTTGAGCGGTGAAGGCAATGAGAAGGTGCAGGATCTTCTTCTATTGGATGTCACCCCTCTT  
TCACTTGGTTTGGAACTGCCGGTGGAGTCATGACTGTTTTGATCCCAAGAAACACCACAATTCCCACGAAGA  
AGGAACAAGTCTTCTACTACTCCGACAACCAGCCCGGTGTGTTGATCCAAGTATACGAAGGTGAAAGGAC  
AAGAACACGCGACAACAACCTTGCTTGGAATAATCGAACTTCCGGTATCCCTCCAGCTCCCAGGGGTGTTCCA  
CAAATCACAGTGTGCTTTGATATCGACGCCAACGGTATCTTGAACGTCTCTGCCGAAGACAAGACCACCGGTC  
AAAAGAACAAAATCACCATTACTAACGACAAGGGAAGACTCTCCAAGGAGGAGATTGAGAAGATGGTTCAAG  
AGGCAGAGAAGTACAAGTCTGAAGATGAGGAGCACAAGAAGAAGGTTGAAGCAAAGAATGCCTTGAGAA  
CTACGCTTACAACATGAGGAACACAGTGAACGACGAGAAGATTGGTGCTAAGCTTCCCCGGCCGACAAGAA  
GAAGATCGACGATGCCATCGAGCAGTCCATCCAATGGCTGGACGCCAACAGCTCGCTGAGGCCGACGAATT  
CGAGGACAAGATGAAGGAGTTGGAGAGCATTTGCAACCCAATCATCGCCAAGATGTACCAAGGTGCAGGAG  
CTGATATGGGCGGCGGTGCAGACGACAGTGCTCCTTCCGGCGGTAGCGGTGCTGGACCCAAGATTGAGGAA  
GTCGACTAAGCTCTCCCTCTCTCTACAGTATCGATCGGGTCTTACCTTCTCTTTTTTTTTTTTTTTTGAACAATCG  
ATTTTTGATTCGTGGCTTTAATTAGTAGTGGAAGCCACTGTTACCGGCGTAATTTTTTTCTCTCTCTCTATC  
TGTTATTGTTAAGTTTTTGAAGACATTTTAGTGGTGGAATTACTTTGGCCACAAAAGAAACATTCTGCTTTTC  
TTTTATCTTTCATTATGAAATTATTATCTCATACACTTTTTTGGTGGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1498 BT005858|Arabidopsis thaliana At1g56700 gene, complete cds

ATCTTTTTATCGAACACAATCTTAATGCTCACTAGTAGTTCTGATGTAGTTATTCTATAACGAAGGAAACATTGA  
GAAACAAATACATAGACAATTATGCGGAGGCTTGAGTTCTTGAGTACATCACTCTTCTCAAGAAATCCTCTATC  
CTGTTCAACTCAACAACCTCAATTAACGTTGTGTGATTCAAATCATTCTATAGCACAGTAGACCCTCTTTTGGT  
CTATTGCACTTTAAAGTTCAAAGAAGATAAATATGGGAAGGTAGAAAGAGGAGAATGAAATTTTTGCTTATTG  
AAAGTGTTTGGTGTGAATATATTTATTGGGACTTTTAGATTGAGTGTATTTATTACATAAAGTCTAAACTCAGT  
AAAATGAAGAAGTATGTTTTTTATTCTAACGTGACAATATTACACTATATTCGGTAACTTGTTTATTGACTAAA  
AGTAACGAGAAGGAGATAAGTCACACATAGAAAGAAAGGAAAATTTTCCATTTACTGATGTTATATTGTTAT  
TCATGTTCTTTCAGCTTCATTTGGGGGTAAATAGTGGTTCAACGAGGTTTACTATTGAATGGCAAGCTGTGAAT  
GAAGCTACTTTCCGTTATGCAGACGAACTTGATGGCAGCCTCAGGTTGATTCCTCTCTTACTTCTAGACTCG  
TGTCTTCAAAAAGTTCTTAGCTTTCTGTTTCGTCTGGAACCTTGAAATGTTTCTATCTGTCTTCTTGATGAATTT  
GGATAGAAATAACTCATCATTTCTAATTGCAGAAGAGAAACGATTAAATCATGGCATAATGAACATATGGCAA  
GAAAAAGAAAACCAAAAACAATGTAAATCTATGGGAGCTGTCTTCTTGTTTTATTGTTTCTTCAACGTTGTT  
CTTTTTGAACCCAGAACTTCCAATAGTCTCCGAGGATGGGGAAATCTCAATGATTAGAAAGGTACCTCTCTT  
TTGCCTTTTGCTGTGAAGTCTATCATAGGTTTGAATGTAACCTACAAGCAATTATTTGTTTCAAAGACATCCT  
GCTCGGCTCTGGTGATCTTAGAGAAGTTGAAGGCGAAAAGCTTTAACGTGATATTATCAAT

>trans\_c\_1499 DQ822911|Glycine max MYB transcription factor MYB112 (MYB112) mRNA,  
complete cds

TCCATTAACCCTACACATAACTCCATAACTCCACCTCCTCCCCAACCCATTCAAATATCCCAATTTCAAAAACAT  
CTAACCTCTCTAATTCTCCCACTCCCATTTCCCAATTTTGATGTTCTTTAGACCCTTTTGTCTTAACCTTTCTT  
CATGGCGCTTACCCGTAAAGACATGGATCGGATCAAGGGCCCGTGGAGCCCTGAGGAAGACGATGCCCTTCA  
GAGATTGGTTCAGAAGCATGGCCACGCAACTGGTCTCTCATCAGCAAATCCATTCCTGGCCGTTCTGGTAAG  
TCCTGCCGTCTTCGGTGGTGCAACCAGCTCTCTCCTCAGGTCGAGCACCGCCCTTTTTGCCTGAGGAGGATGA  
GACTATTATCAGAGCTCATGCTAACTTCGGTAACAGATGGGCTACTATTGCTCGCCTTCTCACGGGCCGGACG  
GATAACGCTGTCAAGAATCACTGGAATTCACGCTGAAGCGAAAGTGTTGTTGATGATGAATGAGGGATAT  
GAAGTGGATCCGAACGTACAACCTATGAAGAAGTCACTCAGCGCCGGCGCTGCCGTCAACGCTTCGAACGGA



CTCTACATGAGCCCCGGAAGTCCATCGGGATCTGACATAAGTGATTCAAGTGTCCTGTTGTATCTCCAACCGT  
CTACCGCCCTGTTGCCAGAACAGGCGGCGTTATACCTCCAGGAGAATCAGCGCCGTCGTCCGCCAGCGACCCG  
CCGACGTCGCTGTCTTTATCTCTCCCTGGAGTCGACAGTTCGCGACACAGCGGAAGTGGGTCAACGGCGCAG  
GTACCTCTCATGGCGGCATTGCTCAAATACAGAGCATGACGACAACAGAGCAGGTAAGAACGGCGCAACCA  
AGTGGTGGGGCGGCTGAGAAAATAAATGGGTTTGGAGTTTTCAGCGCGGATTTAATGGCGGTGATGCAAGA  
GATGATAAAATCAGAAGTGAAAAGTTATATGGAAGGCAAAGGGTTATCGGAGCAGAGAGGAAGAAGATGTT  
TTCAAGAAGCTAAAGCTGGTGGGATTAAGAACGTTAGTTTTTAAGAACTGTGATTCATCATNCAGATTACAAA  
CTCT

>trans\_c\_1500 XM\_002892351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ceramidase family protein, mRNA

CTGACAGTATTCCGCGCAGAGTCTCAAACATTATTCCTGAAGTATATAAAGACAAGCAGGAGTTGTTGGAACG  
TGCAGCATCGTTTCAGTCACAACCAGGTAGACCAGCAACCAGGGCTCTAAGCGTTTCAAGCCGTGTTAGAAAT  
GTTCTCAGGCAGGCTGATAGGCCGCGAGTTTGTATCTGCTTTTTGTCAATCAAAGTGTGGTGATGTTAGCCCAA  
TACTCTTGGGGCATTCTGCCTAGACACTGAACTGCCATGTGACTTTAACCACAGTACTTGCGGGGGAAAGAAT  
GAGCTATGTTATGGACGTGGACCGGGCTACCCTGATGAATTTGAAAGTACACGTATTATTGGTGAGAGGCAA  
TTCAGAAAAGCCGTAGATTTATTCGAAAAGCGTCGGAACATCTCACAGGGAAAGTGGACTTTCGTCACTCTT  
ATGTAGACTTCTCCACCTTGAAGTGTCTTCTACTAAACAGGGAGGAGCCGCTGAGGTGGTAAAAACATGTCC  
TGCTGCTATGGGATTTGCGTTTGCAGCTGGGACAACCTGATGGACCTGGAGCATTTGATTTTAAGCAAGGAGAT  
GACAAGGGCAATCCTTTTTGGAAGTTGGTACGCAATTTACTCAAAGCACCAGGCAACGAACAAATAGTTGTC  
AAAGCCCCAAGCCATTCTGCTTGACACCGGCGAGATGAAGATACCATATGACTGGGCTCCACGATACTTCC  
AATTCAAATTCTCCGATTGGGCAGCTTGTCACTTCTAGTGTACCTGGAGAGTTCACAACAATGGCGGGGAGA  
CGCCTTCGAGATGCTGTAAAAACAGTGTTAACTACTGGAGCCAATAAAGAATTCAATAGCAATGTTTCATGTTG  
TCATAGCAGGCTTGACTAATACCTATTCTCAATATGTCACCACCTTTGAAGAATATAGGATGCAGAGATATGAG  
GTTAGCGAATTGGTCTTTCACCTTTTGTGTACCTGTCTCTATTTTAAATGTCTTATTTCTTACTTTTAGAATTT  
CTATTTATTCCATTTTTGGTCCATGAATTTTCAAAATGTCTATTTTAATATCCAACTTAAAAATGAAAAA

>trans\_c\_1501 NM\_001063987|Oryza sativa Japonica Group Os06g0300700 (Os06g0300700)  
mRNA, complete cds

TAGCTCGCTTCATTTGAGATCATCTTCAAGCTCACTAGGTAGAAAGTAGAGATCTCTAGATGGAGGTGCCACC  
AATTGAAGATTCTGAGCTCCCAGCTTCTGCCGATACTGTTTCATCAAGAACAGGATGATGTGCTACCTGTCCCTG  
ATACCATAAATGATGGAGTCATGGAGCAGAAGCAAGAAATCACTGAGGAAGAAGTAAGAAGTACACTGGAA  
GCGATTGCATCCACGGGAAAATTCTGGCATGATTGGGAGAAATTGAAGAGTATGCTATCCTTTCAACTGAAGC  
AGGTATGGGGAGGTGCTGTCAGAGTATCCTGAAGCAAAAGCATCCAATGAACTACAAAGTACTTTAGGAGAA  
ACCTTCTCAGAGCTGGTAAAGCGGTTTCGATGAAGCACTTCATAGCTTCGTTGAAGGTCCTCATTTACCCTTCA  
AAGGATTTGTGAGATCCTATTGGATGCATGTAGCATATATCCCAATCTCTCAAAGCTTGCCTTGTCTTTGAAA  
AGAATCTTCTGGTGACATCCACACTTGCCATCAGTTCTGACCCGCATGTACAGTCCTCCGACAAAAAGCCAAAC  
GAGTCAGAGGGACTGGAGAAAGCTGAAGAACAAAAGCTATCCAATGCAGTAGAAAATGGAATTGAACCTAT  
AGCTGGAGACAGGGATGAAGTAATGGTGGAGGTTGAAGAGGCCGATATGAATGATGATATGACGATGGACA  
TGGAACCTTTTGAAGAAATAGTTGGATCATCTGAGACAAATAATGCTCCAAACAGTAATTCTTAGCTTTCTCTG  
GTCACCTTAAAGCTAGCTGCTGTAGTTCGGCTGATCTTTTCATAGTGAGGGAGACATGACTGGTAATCCATAG  
TTTTTCGATATATCAATTTGTTTGAATCCAATATAATTCGGTTTCAGATGTGTTATCTTGCATTTGGGAGAGGAAC  
GGGTTACTTGGAATTAGCCTACAATATGAGCCTTACTATTTTGGCTGGTATGTTTTCTTGATCAAATATTTGAGT  
GAACTGATGTTTTTAGTTTTTGAATTTTGATATGACACTTCTCATTTAGCTAATGAAAATGATTTGGCGCTTTG

>trans\_c\_1502 AY113017|Arabidopsis thaliana At1g73940/F2P9\_19 mRNA, complete cds

AGGCTCGTAGTCGTCTCTCTCGGAACTTTAGTGCCTTGGCGGCGGCGCGCAGTAGTAGTAGTTATTGAAGGAC  
AGAGGTGGCGCTTTGAGTCGCGACATAGCGCGGTAGATTGGATTAGATATGAGGTTTCGCAGTATCCAAAGA  
ATTGGAAATACTGATGGAGGTGGAGGTCTTCCTGGCCTTGTGTTCAACACATTTGCGAGGCATTTCTCGAGGA  
AGCGAGCAGAAAATCTTAGGAAGATTAATCCCAAGTTGACCCCTCAGGAAGCTTCTTTGGTTGCTCAAGATCT  
CTATGGTGTATCCAGCAGCACGGCCCTCTACCGTTTCCAATGCTTGGATTAAAGCTCAGGAATCTGGCGTGA  
ATGGATTGAACAGCAAAACACACATGAAGCTACTGCTGAAATGGATGAGAGGAAGGAGGATGCTGAACCTTT  
TCTGCCACTATGTTGGTTCCAACAAGAAATTTCTGCTTTGTAATCCCGATGATCCTCGTGCCGAAGAGTTGAAG  
AATTATTCAGAATCGGGACCCAGAGAAAGAAGAGAGCGAAATCACCAACAAAGAGAAGAAAGACATCAAA  
ATAGACCTTTGCTAACGTCTGTTATTTTAGCATGCAGTGGGCTGGCTATCCTCCTTTGAGTTCTTACTGATGCG  
GGCTCACGACGCATGGTGAATTTGTGAGTCCCTCCACCTTTTCTGCCCCATTTAGCTCATTGTTGGTCATAT  
GCAAGGTTTTTTTTTTTTGAATATTTACATTGACTTGTTCATGTAATTGACTGATAAAGCATGTATTTAAAT  
CATCTTCGATAAGGCATGGATCACGATGCGCTCATTGGATGAATAGCTAGACTAAACCACTATGGATTGGACT  
AATAGGAGCCATCTAAATAAAAGGCTTAGAGTTTTAAATCATGTTGCCATGTACTTAGACTTGAGATTCTATG  
GATTACTTTGGCGAACAAATGTAGTAGGGTGATGGTGACTGTCTAGTTTCAATTTAAGTGCAATCAGCTACTTT  
GAAATTTTATGTTTTACCGATGAACTTCGAATACACATTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1503 EU563917|Oryza sativa Japonica Group Pri-miR1850\_1, complete sequence

TAGCAAAATTAAACATAACATACCATGACTATTCGTGTAGACTCTGGGTGAAAGTCTCCACTGATAGTTCATCA  
ACATTAACAGAATCCAATTTCAAATATAACTCAATCAACGAGTTACCTAAGAAACAGCATAATAAGTTAGTAAA  
CATAGTGTTTATAAAAAATGTTTCGCCGAAAATAATCAGAAAAAAAAAGCAGACAAAATAAGAACCAACTGTA  
CACACGAAATCGAAATTGAAGAAATTGGATCAACTGAGCTTCGCCTAAAAGACTAAAAAACTTCGTTGGTGAG  
AAGGAAAAAAGGGTCATCAGATAGGAGCGAAAGACTAAAAACGATGTATAATCACAGTACATTCAGTTGAAC  
TATGCTTACGATCATCATATGACCCACAATCGTAAAATCGTTGCATCAAATCCAAGAACACACAATCGTTAATT  
CGTTACATCAAATCCAAGAACACAAGATCAAAAAAAAAAAAAACAGAAATTAGACACCCAAAGCCTCAGAAG  
GAAGGCAGTAGAGGTAATTGTAATCACAAATGATCATACAGTACGAATACCAAATTCCTCATCACAGACAGGG  
GCAAACTCAAATCCCATCAACAGATCAATTTAAATATCAGAACGAACAAAACGTTTTACCCTCATCACATCA  
CAGATCAAATAATAAAGAACAAGGATAAGGAAAATGGCCTCATAGAGAAGATTAGAGATGTCAACATGCATA  
AATTCAGACATATGCTTGTAATAAAAAATATTTAATCATCGGCCATCAAAGTTAAAAAGAACTTCGAAAAGCAA  
ACCAAAATCTTAGCATACAAAACCAAGACCGTTTATAAAAACGCTATAGAATGAAAAGATGATTGATAAGAAA  
AAAGGGACTCAGAATATGGGTGGTGATATATCAGGATGGTCGTCAGGCCATTTACACAGCCAGTTACGAC  
GAACGAGACCTTTAGATACAATCGTCACCGTCCCTTCAATTGAGAAGATTTTGAAGAATATGAAAGAAAATT  
GAAAGAATCAGACTGAGAAATAACCCTAGATTCGGAAACGCTAGACTGACTGACCTGAAAGACGCCTTCGA  
GTAT

>trans\_c\_1504 NM\_179117|Arabidopsis thaliana ATP binding / kinase/ phosphotransferase, alcohol  
group as acceptor / uracil phosphoribosyltransferase (AT4G26510) mRNA, complete cds

AGAAGGCTAGAGACATAGCTGCAGTACTTGATCAGTATTCAAAATTTGTGAAGCCTGCTTTTGATGACTTCATA  
CTTCCTACAAAGAAGTATGCTGATATCATCATTCCCAGAGGAGGCGATAATCACGTAGCCATTGATTTAATTGT  
ACAACATATTCGCACAAAGCTTGGTCAGCACGATCTTTGTAAAATATACCCTAATTTATATGTTATCCAGTCAAC  
CTTTCAGATACGAGGCATGCATACATTGATACGTGATGCTAAAACACAAAGCATGATTTTGTGTTCTATGCTG  
ACCGATTGATTGGGCTGGTTGTTGAGCATGGTCTGGGACATTTACCATTCACTGAAAAGCAGGTGACCACTCC  
AACTGGATCTGTATATAGTGGTGTGATTTCTGCAAGAGGTTATGTGGTGTCTCTGTATCAGGAGTGGCGAG  
AGTATGGAAAATGCTCTACGGGCATGTTGTAAAGGCATTAATTTGGAAAGATTCTCATTATAGGGAAGGT  
GACAATGGCCAACAGTTAATTTATGAAAACTACCCTCGGATATCTCCAATAGGCATGTTTTACTATTGGATCC

CATCCTAGGCACAGGAACTCGGCAGTGCAAGCCATTTCTTTGCTCATAAGTAAGGGTGTTCAGAGCCTAAT  
ATTATCTTTCTCAATCTCATATCAGCACCTCAAGGCGTACATGTGGTGTGCAAACGTTTTCCAAGAATAAAGAT  
TGTGACATCTGAAATTGAGATCGGTTTGAATCAAGATTTTCGAGTGGTGCCTGGTATGGGTGAGTTTGGGGAC  
CGGTATTTTGAACCGACGATGAGGAACAAGTGAGGCCTCTCCACAATAGTTGTTCTTTCAAGTAATAACACT  
CCCACAAACACAAAAATCATACTAGTTGTGGGTGTGGAGAGAGACAATCTCGCTCAAAATAATGTGGTTA  
TTATATGATGCGTTTCACGAGGTGTTTCAGAAGAAAATTTGACTCATAAGTGCCTTATATGGAACAAACGTCC  
CTTATTATTATTATTGTTATTGATTATTGTTACTATTCTTCTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1505 HM122709|Malus x domestica WHY domain class transcription factor (WHY1)  
mRNA, complete cds

CGGCACAAGCAGGATGATGAAGCTTACGCGCTTGTTTTACGGAACCAGCTATTTGAACAAATTGTATGTAAG  
AAAGATGGTTATGTTGGACATCCTTTGGGATCACACCCTTTCTCAACTCGTGCTGGGATTCCAGATATTACACA  
GAATTTTACTCATACAGTGACAAAGAATGCAGGTGGTCGAGCTTTTGTTTCCTATCATGTGTATAAGGGCAA  
GCTGCAGTCTCCATTGAACCTTGATGCCAACTTTCACTAAAGTAGAGTCTGGGAATCTTATAATAGATCGACG  
TGGTTCAATAATGCTGACATTCGCTCCTGCCATGGGCGAGCGCAAGTATGATTGGACAAGGAAACAGTTGTTT  
GCGTTGTCCGCAACAGAGGTTGGTCTTTAATCAGTATGGGTCCCAAGGATTCATGCGAATTCTCCATGACCC  
TGGAATGCTTTCAAGTACTGCTGGTCAAGTAAGGAAGAACTTAGCTATTAAGGCTCATACAGATGGCAACGGC  
TATATGATCTCTTTGAATGTTGTTAATAAACACAAAAACCAACGATTTCTTGAGCCTTCCTTCACAACAGGC  
GAATTTTCTGTGCTGAAGACTGCTTGCAGTTTTGCTCTGCCTAGCCTTCTTGTTGGGACCGCGTGTTCAATCCT  
AATATTGGCATGGGTAACGGTTTTCAATCAAAAAGAATTGATCGTGAAGCATTGAGTTTAGAGTGGGAAAGA  
TGAATGTCCGTAGAAATGTCACCTCCATGAAGCTGAAGCTGCTAAAGTTCAAATTTGGGCTAATCTTGTCACCT  
CTTCAACTTCTGTAGTGCGATGGATGTATCCTTCGAATTTTGCTTTACAGAACTCTAGTTGGTGGCAGCGTAC  
TAAATAATTTTTTGATCTGAAAGGCAATGGATTATTTGGATGGGACTTCATTTCTGAAAAACAAGTAACAAT  
GTACACAAGCACTTTTGTTAACTGTTGTTGAGTTAGAGATATGCTCCTAGTCTATTATTTGCATGATAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1506 XM\_002879219|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata chloroplast thylakoidal processing  
peptidase, mRNA

ATGTCGTAGGTTTGATTTAGCTTATGAAACCTTCTGTAGGTACTTCTCGTTCCCCACCAATGCTCATGGGCATAT  
TTGGTGTTACTTCCTTTGAAGCATCTTCGATTATCCATTTTACAGGGGTGCAAGACGGTTACCGGTAATGAA  
TCGATTTCGGGCTCAGCGGGCGATGAAATTGAAAGTTATGGAGTTTTTGAAGTGTGAATGGACGAGGGCATG  
AGCCAGCCGCCAATCCTTCGCAGTTAGAGAAGAGTAGCTGGATATCACGGTTCTTGAATAACTGTTCTGAGG  
ATGCCAAGGCCATTGCTACAGCTTTGACTGTTAGTGTGCTTTTTCGCTCCTCCTTGGCTGAGCCAAGATCCGTA  
CCTTCTTCATCAATGTATCCAACCCTTGATGTGGGCGATCGCATCTTGGCTGAAAAGGTGTCATATTTTTTCAG  
AAAGCCGAGTGTTTCTGATATTGTCATTTTCAAGGCACCTCCAATCTTGCAGAAAATTGGTTACAAGTCAAATG  
ACGTCTTCATCAAGAGAATTGTGGCGAAGGCTGGTGATTGTGTTGAGGTACGAGATGGAAAACCTTGGTGA  
ATGGTGTTGCTCAAAACGAGAAGTTCATCTTAGAGCCCTTTCTTATAACATGGATCCAGTGGTAATATACCT  
GCCCCTCTACTGATTAACACACATTTAATGTGGGAGAGCATGTCCATCAAGAAATTGTTGAATGTTATGTGTT  
GTATTGCAGCTTGTAACCGAAGGGTATGTTTTGTACTGGGGGACAATCGCAACAACAGTTTTGATTCTCATAA  
CTGGTAATTTGACTATCTCGGATTTGATTTGCCTCTATTTTCTCAGCAGACCATGTTATCATTTATACTCAGGCA  
AACCATTTGTTCTCATCGGGTCTGTTGTGCAATTTGTTTCTATATTGCACACAAGTTTCTACAGAATAATCGTCA  
GTATTGAATTGTGCTCTCATTTTGCATTTCCAGGGGGTCACTTCCTGTTGAAAACATCGTCGGTAGATCAGTGT  
TCCGATACTGGCCACCGTCAAAGTTTCTGATATCATGAGTGATCAAATGCAAAGAAAGATGTG

>trans\_c\_1507 NM\_115042|Arabidopsis thaliana ATG5; phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 5-phosphatase (SAC8) mRNA, complete cds

CTCAAAGCTTCACTATTGCAGATTCGAGGTTGATTCTCTACTTTGGGAGCAAATTGTTGATCTGAGCTATAA  
ACCACAACCTTAAAAATTTTAAATGATGAGAAATCGTCAAAAGTTGTTGAACGTCACTTTTTTATCTTTTACAAC  
GATATGGAGAGATAATAGCAGTCGACTTAACCGATAAACATGGTGAAGAAGGTCAATTGAGTGCAGCGTTTG  
CTGCTGAAATGCAGAAGCTGCCAAATGCAAGATATGTCCCTTTTGATTTTCATCATAACATGTGGTACCACAAAG  
TTTGAACCTGCAGCTTTTATATGATCAAATCTCAGAAGATTTTGAAAACCAAGGATACCTCCTCATAGATCC  
AGAAGGAAATATACTCCAGGAACAAAAAGGAGTTATTAGATCTAACTGCATCGATTGTCTTGATAGAACAAAT  
GTTACTCAGTGTTCCTGGCTCAAAAATCTTTGACCAACCAATTGCAGAGGATCGGACTACTTACATCTGCCGA  
GTGCATTACGAACTTCAATGAAGATTACACAAAATTTAGAACGTTGTGGGCTGAACAAGGTGATGAGATTAGC  
CTTGAGTATGCTGGTACTCATGCTTTGAAAGGAGACTTAGTGAGATATGGGAAGCAGACTTTTTCCGGAGTAA  
TCAAAGATGGGATGAGTGCTATTACCAGATATTATCTGAATAATTTCCATGACGGAGTTCGGCAGGATGCAAT  
AGATCTTATATGTGGCCGCTATAGCATCAACAAACAAGGTCCTTCACCATTCCAGCTGAATGGATTGGAATCAC  
TATCTTATCTCCCGGTAGCATCAGCTCTAGTGTTGGAGTTTGACGATTACATCGCTCACGCTTCAGCAAGCG  
GGAAGGAATGCGCAGCAGTTTATGTCATCTGTGCTTTGGGCTGGTGTACTGCTGGGGTGATGGCAGTGGTC  
AAAGCAAATGGCAAACAGTTCTGTTCTAGGCCTCGCTTATGCAGCCTCCGTTGAAGGTTGGTTCATTCCAC  
ATTTTTTAAGCTTATATTATTTATGGACAGAAATGCACTGCTGATTTACTGTAATTGACCCCTTACATG

>trans\_c\_1508 M32742|C.sativus peroxidase (put.) (CuPer2) mRNA, 3'end

ACAACCTAAATTATTCTTAAGCTTAATTGTACTATAACATAATTAAGTTTGTAACAATGGCGGCTTCTTTAAAG  
CTATTATTTCTTTGGTACTGTGTTTGATGATGGCTGTGTCTGTGAGATCTCAGCTTAGCTCCACCTTCTACGACA  
CTACATGTCCTAACGTATCAAGCATTGTGCGTGGTGTATGCAGCAAGCTCTTCAAAGTGACGATAGAGCTGG  
TGCCAAAATCATCCGTCTCCATTTTCATGATTGTTTCGTCGACGGTTGTGATGGGTCCGTGCTACTCGAGGACC  
AAGATGGTATAACGAGTGAGTTGGGTGCACCCGGAACCGAGGCATCACGGGTTTCAATATTGTTGATGACA  
TCAAACCTGCAGTTGAGAATGTTTGTCAGGAGTCGTTTCATGTGCTGACATTCTAGCCATTGCTTCGAGAGAT  
GCAGTCACCTTGGCATCAGGACAGGGTTGGACGGTTCATTGGGAAGAAGAGACAGTAGAACAGCAAATCT  
GCAAGGAGCCACGAATAGGCTCCCAAGTCTTTTGAGAGTCTCTCCGAAATCCAAACCAAATTTACCGATGTT  
GTCTTAACGACGGTACCGATGTCGTTGCTCTATCAGGTGCACACACATTTGGACGTTCAAGATGCATGTTTTTC  
AGTGGACGCCTAAGCAATAATACAAACGCAGACTCACCCATAGACCCAACATACGCGAGTGAGTTGAGCCAA  
AGTTGTCAATCAGGGGGAAACACATTTGTGAATCTAGACCCAACAACGCCAAACACATTCGACAGAACTACT  
TTACAAATCTTCAGAACAAACCGAGGACTTTTGAGAAGTGACCAAGTTCTGTTTTCTACTGATGGAGCTTCAACT  
ATCAGTATTGTCAACAGCTTTGCCAGCAGCGAGAGCGCATTTGCCGACGCCTTCGCTCAATCAATGATAAGGA  
TGGGAGATCTCGACCCTAAGACTGGGACCACCGGAGAAATCAGGACCAATTGTAGAAGACTCAATTAAGATA  
ATAATTATAAACCGACCACGTCATCGTATAATGATTTCATACACCAAATTAAGTGTATTTATATATTGTTA

>trans\_c\_1509 AF492824|Phaseolus vulgaris photosystem I-N subunit (PSI-N) mRNA, complete cds

GGAGTGAGGAAATCTCACCTTATCCACACTCTACCACAATCCCTTATCCATTTCCATCTCAACAAATCTCCTCT  
TTTATCAGATCCCTCGTAATCTCGTTACCCCCATTAACAACAACTGACCGCCATTAATTCCATTTCCAACCTTG  
TCCAATCACTTCAAACCAATGGCCACCATGAATTCCAGTGTCTGGCTTGCAACTACGCCATTTCCGGCGCTG  
GATCGGCCGACCTGAACCTCAAACTCACCGCCGTCCCTTCTGTTGCGTCCCCTGGGGTTGTGGGTTACAAGTTG  
CCGGCTATTAGGGCTCAACAGGCTAGGGTTCTGAAGCTAAGAACGAAGGAAGGAGGACTGCGCTTCTTTAC  
CTTGGAGCCACCCTCTTTGCTGCGGCTGCGGCTGCCTCTAACTCCTCTGCTAATGCTGGAGTCATTGAAGATTA  
TCTTGAGAAGAGTAAAGCTAACAAGGAATTGAATGACAAGAAAAGATTGGCAACAAGTGGGGCAAACCTTGC  
AAGGGCATAACCGTTGAATTTGGAACATGCAAGTTCAGAGAACTTCACAGGGTGCCAAGATCTTGCCAAA

>trans\_c\_1510 NM\_001066778|Oryza sativa Japonica Group Os07g0608500 (Os07g0608500)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_1511 L31645|Helianthus annuus ribosomal protein S3a mRNA, complete cds

[illegible]

>trans\_c\_1512 AF174429|Arabidopsis thaliana FH protein interacting protein FIP2 mRNA, complete cds

AAAAACAAAGACCTCCTTCTCGCTGTTTCCCTTCTCTCATCTCCAATTCCTGCTTCATTTCAATTTTCACCACC  
GGAGTTCCGACATTCCTTCTCTCACCTCATCAATGAAGGGCGTCTCTGATCCTTCTCTCATTTCGTCTCAACATT  
GGTGGGAAGAAATTTAGAACAACATTAGATACATTGACTCTGCGGGAACCTGATTTCGATGCTAGCTGCAATGT  
TCAGTGGCCGTCATACCTTATGCCAGGATCCCGAGGAGGGATCTATCTTTTTGGATAGGGATGGGAAACATTT  
CCGTACATTCTCAATTGGTTAAGGGATGGCATAGTTCCATTTCTTCTGACTTTGACCTTTAGAGCTTCTGCG  
TGAGGCAGAGTACTATCAATTGCTTGGACTCATGGATCGAATCCGTGATTTATTAAGTAATAGGAAGGAAGAC  
GAGGAACCTCAGTCAGAGCTGAAGCGTGTGATATTATCAAGTGCATTCAGTCTGAGAAAAGTTAGACTGCGA  
GGGGTTAACCTTTGTGGCCTTGATCTTTCCAAGCTGGACCTTTCATATGTAGACTTCAGCTATGCAAGTCTTAA  
AAATGTGTTCTTCTCACGTGCAAACCTTCAGTGTGCTAAATTTTCGGGACGCGGATGCTGAGGGCTCAATATTT  
ACAATGCAACTTTGCGAGAATGTGAATTTACTGGAGCAAACCTTCGTGGGGCCTTGTTAGCAGCTGCTAATCT  
TCAAAGTGCTAATTTACAAGATGCCTGTTTGGTTGATTGCAGCTTCTGTGGAGCAGATCTACGCTCTGCACACC  
TTCAGGGTGCCGATCTAACTAATGCGAACTTGGAGGGAGCTAATCTCGAAGGAGCTAATTTGAAGGGCGCAA  
AATTCTTAACCCCACTTGAGGAGTGCAAACCTACAACGAGCCTATTTGCGATATGTGAATCTTAGAGACACT  
CAGTTGGAAGGTGCAAGACTTGATGGAGCAAATTTACTGGAGCAAATCAGGTGATAAGCATTAAAGGTGCA  
TGACTTAAGAATATATCTATAGTTTTTTAGTATTTTCTATTGTATATACAGATAGTGGCATTCTCTT

>trans\_c\_1513 NM\_001037073|Arabidopsis thaliana LMBR1 integral membrane family protein (AT5G65290) mRNA, complete cds

AACAGTCTAATAAATGAAGACATGAATGGGAAGTCGTCAAAATCTTCCGGCGATGAGGGTCGGAAGTATGGT  
TCTAGCAGAGAAGCCATGAGCAACAAGTATGCTGTAATTAGAGAACAAATTAGACAATCAACATTTAAACACAA  
AGCCAGTGCCGAACATTGCTTCTGCCAAGGTCACCTTACTTGATACAGAAGATGGTGAACCTAGCAATACCAA  
TGAAAAGACAAATTCTGGTTTGGCCTCAAAGTGGGAATCAATGAAGATGGGTTTTCAAAACTTCAAGGCTAAT  
ATAGGAACCAAAAAGTTTCTTCCCTGCCCGAGTTCAAGATTCAAAACTCTCTCTCGTCATGATTCTACTCAG  
TCCCTTGACGAGATCTTCCAACGATTGAAACGGCCATCAGATCATGTAGGTTATAGTGACGAGGAAGATGGG  
ATGGAAATCAGGAGTTCTGAGAGAATAGAATTTGAGCGGAGGCCAACTAGATAACAACCACTTTTCTCTCTTT  
AGGTTTAAGAATCAAAGAATGCTGTTACCATGTACAGCCCTTGGTGCCAGTTTAGTTGTTTACTTGCAGTTGGA  
TCATCCCTCATTTGAACACATGTTTGGAGCGTTCCCCGCTAGATTGACACTTACGTATATAAGCTGACTGGTGG  
CAAGAAAACCTGGAGGATGGAGATTACACTCACGAACTGTTGAGTCGACCACATGGTCGTAAAATTCACAAAG  
GTTGCAACTGCAAATGTTTGTGCTTGGCTGCATCAGCATTGCTTTGATTCTTGAGATTACACTCAGATGCCAT  
ACGTTAAATTTATACTGTATCTTTTTCTGGTATTTTGATATCAATATGTGAATGTAATTGGAAATTGTTTTAGG  
CAACAAAGGTTGAAATTCTAGACTCCAAAAAACTTGATCTGAATGGTTTCCGACATTTTGATATTTTTCTTGTA  
GCTAGCTGTAACCTTTCATATGATTTAAACGAGTCGTTGTATGAGTCAGCTATTGGCACTTTCAGGGGAAACAA  
AAAGGTGAAAAGTCAGCCATCGCTAAAGGGCCTTAGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1514 AY110285|Zea mays CL47158\_1 mRNA sequence

CTTCCCTAAATTTCTAGGAAACCCACCAATTTCTTTTATGCTATTTGGTTGATTCTCAATTTCCCACTCAATTAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTTTCCCTTTTTCCCTCATCTAACTTTCAATTTTCTTGCCCCAAAGTCCACTCTAT  
CTCTTTCCAATTTAAATACTGGGTTTTGGTTTTCCCTCAATCGATGTTCTTCTCTGCGCTTTTGGCTTAATTT  
AACCATGGTGATGCTCAATAGTTCTTTCGCTGCTTGGATCAGCCGTTGTTTGCTTGCATGGGGGGTTGTTTTG  
GATGCTGCACTAAACCCACACCTATTATTGCTGTGGATGAGCCATCTAAAGGATTAAGAATTCAAGGACGAGT  
TGTTAAGAAACCTAGCATATCTGATGGTTTTTGGAGCACAAGCACATGTGATTTGGATAATAGCACCATTCACT  
CTCAACGGAGCATCTCGTCTATCAGTACATTAACCTCACTCTCAGCAATAGCAATGTTGCTGGCAGTGTGAGC

>trans\_c\_1515 BT011791|Arabidopsis thaliana At3g56510 mRNA, complete cds

>trans\_c\_1516 AF238305|Solanum tuberosum calcium homeostasis regulator CHoR1 mRNA,  
complete cds

[illegible]

>trans\_c\_1517 AF158253|Nicotiana tabacum patatin-like protein 3 (PAT3) mRNA, complete cds

ATACTTCATATTAATAATTAATTATTCTTCATCCCTCTTGGCGTCTTCAACATCACCACCTTCCAAACACCCATTCT  
CTTCATAAGCTTAAAATTGAAGAACTCACCCATATAACCCTCATTACACAAACCTCCCACAACATCTTCATAA  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACTAAAAGATGAATCCTAATTTTGAGAAAGCGGAGTTCATAACAATTCTAAGCA  
TCGACGGAGGTGGCGTCAAAGGCATCATCCCCGGAACCATCCTTGCTTTTCTAGAATCCAAACTTCAGGAATT  
GGATGGGCCAGAAGTGAGATTAGCAGACTACTTCGACGTAATTGCGGGGACAAGTACAGGAGGATTAGTAA  
CAGCTATGCTTACAGCTCCAGACAAGAACAACAACCGACCGTTGTTTGACGCGAACAAGATTTTCGGAGTT  
TTACATGAAAGAGACTCCAAATATTTTTCTCAAAGAAGGCATTTTCTTGGTGGAGTTTTCAATTTGTTTGGAC  
AAGCCATAGGGCCTAAGTATGATGGGAAGGAGCTGAGAAGAGTGGTGAATGATTTGGTGGGAGATTTGACT  
TTGAAACAAACATTGACAAATGTTGTGATTCCAGCTTTTGATATCAAGATTCTTCAACCTGTCATCTTCACCACT  
AATGATGCAAAAATAAATGCATTAAGGAATCCAAGGCTGGCGGATGTGTGCTTGGCCACCTCGGCGGCGCCCC  
ACGTTCTTGCCGCCCCATTTCTTTGAACTAAGGACGATGTAACAAACGCCACTCGCACTTACGACGTCATTGA  
TGGTGCCATTGCAGTTAATAATCCTACATTGGCAGCCATAACACACATAAATAGGGAGATAGCAATTCATCAT  
CAGAAAGAGAACTCAAGAATTAAGCAAATGATACAAGAAGGATGCTTGTCTATCTCTAGGGACTGGATTG  
GGTAAACATGAAGAGAAATATAATGCAACACAAGCATCAAATGGGGAGCTTTTAGTTGGATTTTTCAAGGT  
GGTTCAACCCCATATTGACTTCTTTTCTGATGCTAGTTCTGATATGGTTGATTACCATGTTTCCACTCTTTT

>trans\_c\_1518 XM\_002321546|Populus trichocarpa rna-dependent RNA polymerase (RDR904),  
mRNA

ATGATCAATGACACATTAGGTGCCATTTCTACTGCTCATTTAGTTCATGCTGACCGGGAACCGAAAAAGCCCT  
AAGTGCGAAATGTTTAGAGCTGGCAGCACTGCATTCCATGGCAGTCGATTTTGCAAAAACCGGAGCACCAGC  
GGAGATGCCTCGAGTTTTGAAACCGAGGGAGTTCCAGATTTTCATGGAGAGATTTGATAAACCAATGTACATA  
TCCAGTAATGTATTAGGTAACTCTACAGGGCTGCTATTAAGTCCATTGAGCAAGAAAGGTCAAGACTAGTAT  
GGTCGGAAGAGGCTGCTAGAGCAATTTACGATCACGATCTTGAAGTCGATGGCTTTGAAGCATTCTTGAAT  
AGCTGAACTTACAAAGAAATGTACATAGAAAAATGAGCATTTTGATGAACTACTACAGTGCAGAGTATGAA  
GATGAGATATTAATGGGCGATCTTCGAAGTCGAGCATCTTATCTACAACGTGACAATCGCAAGTATGGTGATA  
TGAAGGATCGGATTTTGCTTCGGTAAAGAGCCTACGCAAGGAAGTCGAAGAATGGTTTGAGAATAGCTGCG  
ACCCACACCAACGCAGGATGATGGCTTCTGCATGGTATCATGTAACCTTATCATCCTTCTTACTTCAAAGAAGAC  
ATGTTCTACTTTAGCTTCCCATGGGCTGTATCTGATGTTTTACTCAACATAAAGGCAACGAACCTCCAAAAGACA  
TCAAGCATAAAAGGAACTGCTAGCTCTAGCTGTGCGTTGTTAGCCAAACATGTCATTTATCCTTTACCTGACT  
AACCATAATCCATGTTACTCACTACCACATTTTCAAGCCTCTATCTTTCTGTGAAGGTTGAAATATGTTGAACCA  
AGTAACGATGGTCATGACTTTCTATTTTCTGTTTATATCCGGTGGGTGATTGAGTCAACTAACGTAGACCTT  
GCCTAGTTTCATCGAACAATTCATTGACCTAAATGTAGCCGCTGTTTATGGAACCTCTGGTTTCTTTTAGGGAT  
TTTCCATTTACTTCCCATGGAAAAGATTGGGGAAAGACAGGCCACCCATATAAAGCAACTTTCTCT

>trans\_c\_1519 BT024865|Arabidopsis thaliana At1g67600 gene, complete cds

ACCCATCGCTCCTTTTTGCCTCCTTTGTCCAATAACCATTTCTCTGCATAACAACAAAAACCCCCAAATCCCAT  
TTCTCTTTCTCCCTTCTCCCTTCTCCATCTTCTCTTCTAAATCCCAACAATCCAGCTCGATCCAGTCCAAT  
AATGGATGATGTGACGGCTTCTTCAGGGTCGTTGATCAACGGGCCTCCTTCGCACACCCCCTCTCCTTTTCTTC  
CACCATTTTACCAATTACCCTCTCATTTCTGCTCTCCTTGCTTCGCTATTGCCAGTCCATCAAGTTCTTCACCT  
CCTGGTATAAGGAAAGACGATGGGATTTAAGAACTAGTAGGATCCGGTGGAAATGCCTTCATCTCATTCTTC  
AACTGTTTCTGCTCTTGCTATAGCTATTGGGCTCCAAGAAGGCTTTGGAGCATCAGTCTTTGCTGTTGCATTGA  
TCCTAGCATGTGTTGTAATGTACGATGCAACTGGTGTGAGATTACAAGCTGGACGCCAAGCAGAGGTTTTGAA  
TCAAATTGTTTATGAGCTTCTGCTGAGCATCCTTTGGCTGAGAGCAGACCATTGCGAGAAGTCTTGGACACA



CCCCTCCCAGGTTATAGCTGGAGGCTTGCTGGTATTGTCACCTCTCCATTGGCCATTTGATGATCATAATG  
ACAAGGTCTTGAACATTGTGCTGAAGTAGATCAAGCAGGTAAGGCAGTTGTAGCCCTGATCTTGTCACTGATG  
AAAGCTATCTGCTCTAAACTTCAGTATCAACTTATTCTTGTGAATATGGTCTGCACATAACATTTGATCGATGA  
GATATTTTCAAGATCATTGTTTGATTTATTGCTGTATTTAGTGCAATAGGACCATCATCAAGCTGCAGCTACACTT  
GCAGCAAATTAGAAAACAAACGTATAGTTCTTAGCACCTACGTTTTAGATATAGCTCTAATGGCACTTGCTTTT  
GCTACAAGTCCATTTTGATTCATGTAGTTTTCTATTTGTGGTTTTTATTCTTAATAATTCTGGATAAAAAAGAA  
GAAAGCTATTTTCTGTGGCTGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1520 AJ580822|Lotus corniculatus var. japonicus gene for coatomer alpha subunit-like protein

CGACTGTAAAACCAAACCACAACCAACAATTTCTCCTCTCGAATCAATTTCTCAAATCGGAGCGATCATGGAG  
GCCGTTTCTGGATCATCATCTTCTTCTATGGAATTTGTGTTTTATGATGATTTTGAATATGAATTCGTTGAA  
GACATCGAACGTCTTCTAACTGGGAGTTGCTCGATACTTTGATGCCGATTGAGAAATGGGCGGAAATGGAG  
GGGAAGAACAAGGGGAAAATTACAGCGTCGACGATAATGTTTCTCAAGATCTTCGAGAAATGATTTCTCCCGT  
TCTCGCAGTGCCGATTTGCTTGTGGAGGATCGAATCGACGGTTCGTTGGAAGATGCTTGTTCCTTACAATC  
AAGCGGAAGACGGTTTTGCGTATGGTTATGACGATGCGGAGGAGGAAGATGAAGTGGATGATGATGAGGA  
GGATGAGTTCGATTTGGATGATGAACGTTCCGTGGTCTGTTAGTGACAACTCGGACGGCAGAGGATGAG  
GAAATTGGGGAAAAGAGGTTTTACGAAGATGTATAATTCGAAGAGATCTCCGTTTTTGTTCACCAAGCCAGGA  
TGTGTCCGCGCAAACACGGACTCGGCTTGAAACACAGCTATTAGAACAAGAACAGATTCATGAACCTGCTT  
GCCTTAAAAAGGTAATCGACTCTAAGTCCAATTTGGCGTAGAAGTAAATACTAAATAGATGTAATAATTAAT  
CCCAAAAAGTAGTATTTGTTTGTGTAAGTAGCAGCAGTATTAGTAATAGTCCCTGTAAATCCAATTTGCCG  
GGATGGTTTTCTGTTGATTTAACAGGCTTGGATTAAGGAAGAACACATTAACCTCAAATTTGATCTTTGTGAAAT  
TAATCAATCATTTGTCTATATTCTCCTAAGTTATGTCCTCCACGAGAATCGTTATGCTAATTACTATATTCTTTGT  
TGGATTAGCTGTTTTGTTTGTACACTCTAAGTTCATCTTTGTGGTTGATGTACTTTGCCCCAAAATCTGGAA  
TCTGGGACATACCTTCTGAACAATTGATAATGATTTCTGATCATTTCTCTAAGTATGTAAATGGA

>trans\_c\_1521 NM\_111232|Arabidopsis thaliana phagocytosis and cell motility protein ELMO1-related (AT3G03610) mRNA, complete cds

AGGACAAGTTCGAGCGCGAGTCCGATGCAATTATCTCCCTTTCTTCTTTATTTAATTCCAATTCAATTGACTTCG  
ACTCCCATGTTAAGCAACGCAATTTGGTATAAATTTGGGCGTTTCGGAGGATTTCTTTTATCCTACATTCTCCG  
CTTTCCAATTTTTGATTGATTCGTTTCAGTTTCTCCTCCTATCCCACTTTTCAGGTAGCACAGAGGTTGTTATAAG  
AAGTTATTTAATGACTTCAAAAACCTTTGAGGAGGAGGCTCCATCATGGTGTGTTGATGGGAAAAGGAACGA  
AAAGTATGATACTTCTGGCTTTGAAGGTTTGAGTGAGCCTCTGCTTGGCAGCCATGAGTATAGTGATAGAAGC  
TCGGAGGTACGCACGCTTGAAGAGATTTGGGACGATGAGCGCAAGAAGCAACAGTTACACTGGACACTTCTG  
TTTTCTCAGTTGATTGCACAATGGGCTCAGTGGATAGCAAACATTGTCTTCGGCTCTGGAGCACTCTTTGGTCG  
ACTTTTGCCATTTTCTTTGAGCATGCACAATGGACAAAACCATAGGGTGGCTCCACCTCTTAGTCTTTTACAGG  
AAGAAAGACTCAGGAACCTAAAGCAAAGGCTGGAAGTTCCTTTGATGGATCTCGCATTGAACACCAAGATG  
CTCTGAAAAGGTTATGGAGGTTGGCATATCCAGACAGAGAGCTTCCACCTCCTAAATCTGAGCTCTGGAAGGA  
CATGGGTTGGCAAGGTACCGATCCTTCAACAGATTTTAGAGGTGGTGGATTTGTTTCACTGGAAAATCTCATA  
TTCTTTGCCAGACATATCCGGAGTCATTCCGCAGATTGTTGTATAAGAAGGATGGTAAGAGAGCAGAGTGG  
GAATATCCGTTTGCTGTTGCTGGCATTAACTTTGTTTATGTTGGTGCAAATGTTAGATCTCCAATCAGGGAA  
GCCAAGTTCATTGGCAGGGATTGTTTTCTAAACTTCTAGAGCACGACGAGATGGCATTGATAACCTCTTCT  
GTGTACCTTCCCATGATGGACGCTCAATGGCTTGCAAGGCGCGCTTCCTATATGGATTTCAATG

>trans\_c\_1522 NM\_001067301|Oryza sativa Japonica Group Os08g0102100 (Os08g0102100)  
mRNA, complete cds

AAGATCGAGAGTAACTGCTGCTACCCTTTCTGAACTCTCTGCTGCTCCTGAGCTCTTGGAAAGGACTGGAGGT  
TTGGGTGACAACAGATTGTTTTGGACGAGAGTAAGATTGCCAAGAGTATCAAGTTAGTTGCCGAGAGTCTTG  
CAAGGCATATTTACAGATACGAAGGAAAGAACATACAGGTATTTGCAGATGATAGTAGTTTGGCAGTCAATCC  
AACTTATATTCGGTCATGGGTGGATCTTTATCACGAACGCCTCGAGTTGCTCCATTCTGTGAAAGACGACC  
CTTTCATATCGGCATTAAGGAACTGGAGGTCCATACCCATGATGTGAGCTTGCAACACGAAGTATTTGA  
GGGGATATTCACCTTTATGGTTCAACTGCAGCTAACTTCACGTATACCAGGTGCGTAGTGTGACATTTGACT  
TGCTTTTGCTTTGGTCTTGGGATCTTATTTAGTTTTACTCTTCTGTTTCCTCGTGATCACAACCAGGGGTCTCGA  
TGATCTGATCGGTTTATTTAGACGCCCTCCTTCCCGAAAAGTAAAAACAGCTTGATGAGTTGAGTAGATTTTGA  
TGCTTGATTTCCATCATTGACACCCGAATTTTGAATCTAGATTAGACAGGCCTAACGATGGGGTCCAAGGT  
GTCAAACCAATCATCATTAGAGCTGGAGGAACTGAAGGGGATTTTGATGCTTGAATTCCTCGCAGAATTCTCT  
GTTTCTTTCTTTGACATCCTTTAGTTGTTATATCATCTGTGACATAATAACAGTTATTGAGAACTCTCGAGGTGC  
GATATTTTTTTCTTGTCTCCATATTTAAATTCCTACTGTTTAAACCCTCCATTTGTGGCTTCCACTTTTGACTATG  
ATTTTTTACCCCTTGAATTTGTTGGGTCTATTATTTCTTGTCTCAGTTGATATTAGTGAGTGGCAGGCAATATA  
TTCAGTTTCAGCAGTTAAGAAAATCTTCCAGAGAATATGTTGAGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1523 AY042901|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T22E19.15) mRNA, complete cds

AAAAACCGACGACGAAAGAACGAACCACGAAGAAAAAGGACGGCTGGCAGCGGCCGCGCCCCAGATCGG  
AAACTTCACCGGAGCTGAATCAGTTACAATAATGGCTACTAATTTGTTTGTAAATAGTCATAATCGCCTCTCTGC  
ATCTAATTGCTTTTGTTCGCCATCGGAGCTGAAATGCGCCGAGACACGGTATCCCTTTCCCTCTTTTCTGAT  
TTTTCTGAAAATTGAGACTGCTGAGACCTTCTAAGTTTTTGTCTGTGCGTTTATGGACTGAAAAGGCAGAGG  
TAGTGCCGGATAAGTACGACGAGACTACTTATTGCGTTTACGATTCCGATGCGTCGACGGTGACGGTCTTGT  
AGCGTTTGGTTTGTACTGATTAGCCAGACAGTGCTTATGGTAGTTACAAGGTGTCTCTGCTGTGGTAAAGGC  
TTGAAAAGCGGAGGATCTACTGTTTGTGCAGTCATCTTCTTCATCATTCTTGGCATCTCTTCTTAGGAGCTGA  
GTCCTTATTGCTGGCTGGGTCTGTGAGGAATGCCTACCACACCAAGTACAGATCATCATTGCCTCTCAATAACT  
TGTCGTGTGCCATGCTTCGCCGTGGGTGTTGCGCGCTGCAGCGGCTTTGACATTTCTGTCAATTGGTGTTC  
ATCCTTTACTACCCGATGCACTCGAGAGCCGACACCGGAGGCTGGCAAAGCATCAGAATGAAGGCATTGGC  
ATGGGGCCTTCTAATTTACCACAACAAGAGCTGCACGAGCGGAGAGCAGAAGAATTCGAAAAGGTTTAGCTA  
TAACAGGATTTAATCATTTGATTTTATGCTGGGAAAGACAGGTATAACAAAAATATCAACTTGTGTAAATTA  
TGAATATGTAAAGTGGTAGCTGATCTATATCATATATGTTTTGTTTTAACCTGTGGACTCCAAGATTCATTGCT  
TAGTGAATTTTGGACCATTCTACACATAAACTCCCAATATATTATTGTTGTTATTATTATTATTATTATTGG  
GTATATAAGGTTTGGTATGCTTTTGTATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1524 NM\_130077|Arabidopsis thaliana PVA12 (PLANT VAP HOMOLOG 12); structural  
molecule (PVA12) mRNA, complete cds

TGCGGCACGTGTTTTGCTTCTTCTTCTTGTCTGCAGCACGTTCCGCAATTGTTGCTCCTCTCTTTTCTCGATCT  
GTTCCCGAAACTTGCTCTCAAGCAAACCTCATTCCAGATTCTTTTTCTTCTATTATCTTCAATTCATCTTCTC  
CCCTCCTTGTTTTTTTGATCCTGCTTCACTCTTCTCAACAATGAGTACGGGAGAACTCCTCAGCATCGAACCTC  
TCGAGCTCAAGTTTCCCTTGAATTGAAGAAGCAGATCTTGTTCCTTCAATTGTCTAACAAAGACCGATAGC  
TACGTTGCCTTTAAGGTGAAAACCTACGAACCCTAAAAAGTACTGTGTTCCGCCAAACACTGGAATTGTCTCGCC  
ACGGTCAACATGCGACGTTATAGTCACCATGCAAGCCAGAAAGAGGCTCCTGCTGATATGCAATGCAAAGA  
CAAATTCCTCCTCAGAGTGTTAAACAGTTGATGGCGCTACCGCAAAGGATATCAATGCAGAAATGTTCAAT

AAGGAGGCTGGGCATGTGGTTGAGGAATTCAAATTGAAAGTCGTTTATGTTTCTCCACCCCAACCACCTTCTCC  
AGTACCCGAAGGTTCTGAAGAAGGGTCCTCCCCAAGAGGTTCTGTATCGGAGAATGGAACTTCAATGATGC  
TGA CTTGAATACTGCTACAAGGGGATATGTTGAACGGTCGGAGCCCCAGGATAAATCTGCAGAGGCGAGAGC  
CCTCATAGCAAACTAACAGAGGAAAAGAATAATGCCATGCAACAGTACAACAACTTCGTCAGGAATTGGA  
ACTATTGAAGCAGATAGCAGGAAAAATGCCAGCGGCGTCTCCTTCGTGTACGTTATATTAGTCGGATTGATC  
GGAGTCATCTTGGGCTATATTATTAAGAAGACTTGAGAATCTCTATGCAGCAA CTGGAATTTATATCATTATA  
TTTTCTATGATGAAAGGAAAAAGGA ACTACTAATGTT CAGTGGGTGGATCTGTAGCAAGTTTTAATTTGTTGA  
AGTAGCAAATTGTTAGGTGGTGTTCAGAATTTGTAGTTGCTGAATTTGCAAGGTAGCACACAC

>trans\_c\_1525 NM\_001112582|Zea mays transcription factor subunit NF-YB2 (LOC100125651),  
mRNA gb|DQ333304.1|Zea mays transcription factor subunit NF-YB2 mRNA, complete cds

CTCCTGAATTTGCCCTGAAAAAGGGAAAAACAAAAACGAACGGTGCTGATAAACTTGATTCTCTCATCTCAG  
TCGTCTCCTTTCTCCTATCTTCACCATCGTCCGATTCCATTCCACCACTCCATTTCCACCCGATCTAAATCCTTCTC  
TCTCGCGCCCAAATTACAAATCTTCCGTTTTCTCCACCAGGGTTTTGGTGAAGATGGCTGATGCTCCGGCGAG  
TCCCGGCGGAGGAAGCCATGAGAGCGGTGAGCAGAGTCCGAGGTCTAATGTTTCGCGAACAGGATAGGTTTC  
TTCCTATTGCGAATATTAGTAGGATCATGAAGAAGGCTCTTCTGCTAATGGGAAGATTGCTAAGGATGCTAA  
AGAAACCGTACAAGAATGTGTATCGGAGTTTATCAGTTTTATTACTAGCGAGGCAAGTGATAAATGTCAAAGA  
GAGAAACGGAAGACGATTAATGGTGATGATTTACTTTGGGCCATGGCCACTCTTGATTGAGGATTATATCG  
ATCCACTTAAACCTACTTGACGAAATACAGAGAGACGGAGGGTGACACTAAGGGGTCTGCTAAAGGTGGTG  
ATGGGTCAGCTAAGAAAGAAGCTCATCCAACCCCTATTCTCAGATGGCTCATCAAGGGTCGTTTTCCCAAGG  
AGTTAATTATGCAAGTTCTCAATCACAAGCCAGCATCTGATGGTCCCTATGCAAGGTA CTGACTGAAATTGCC  
TCAAATCGACCATGTAACTGTTGAATTTGGAGATCTTTGTT CAGTATAACAGCAAAATTTGAGTCTATTTATTT  
AAAGTTTGGGTGGTTTTGATACTTTTAATTGTAGAAACAGTTGCACTTTGTATATTATTATGGCTGTCTATTGG  
ATTGGAAGTTAGGACACAGTATTTGATAGAGGTTCCAAGTCCTGGGGATCGCATTTATTCATGCTTGTAACCT  
TACAACCTTTGCAAGGTCTTG TAGGTCTTGAAAAAGACTTGGTAGCAGTAGCACCTCTGGATTTTTTTTAGAA  
TCATTTTCCTAATCAAAGAATAAATTGTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1526 DQ672569|Capsicum annuum CCR4 associated factor 1-related protein (CAF1)  
mRNA, complete cds

AATCTCTCTCTCTTCTTCTTTTACATCCGTATTCCTTCAATTCTCTCACTACTTCAATTCTACTTCTTCTTT  
TTTTTCTTTTTTAAAAAACAATATAACTTAATTTAATTTAAATTTTCATCATATTCAGCCATGCTTATCC  
ACGATCTCAACATCAACCACCAATCCATCCACAAACCCATCCAAATTCGTGAAGTTTGGGCTTCCAATCTCGAT  
TCCGAATTTGTTTTGATCAGCGATCTCATCGATCGATTCCCTTTCGTTTTCAATGGACACGGAGTTCCTCGGAGT  
CATCTTCCCCAACAACCAACCCAAATTTCAAATCACCCCTCTATCACTACCAATTCCTCAAATCCAACGT  
CGACGTCTCCATCTCATCCAGATCGGAATCACTCTCTCCGATTCCGACGGAACTTGCCGGATCTGGGAACCG  
GCGACACCCGATTTATCTGGGAGTTCACTTTAAGGACTTTGACGTGGCGCGTGACCCCCACGCTCCGGACTC  
CATCGAGCTTCTCCGCCGTCAGGGCATCGACTTCGAGAGGAACCGAGAGGAAGGGATCGATTTCGTCACGCTT  
CGCGGAGTTGATGATGTCATCGGGACTCGTCTGTAAACGAGTCAGTGAGTTGGGTGACGTTTCACAGTGCCTAT  
GATTTTGGGTATTTGGTTAAGATTTTAACCCAGCAAAAGCTTCCGAAAGGGTTAGAAGAATTCCTCGGCGTCG  
TTAGGGTTTTCTCGGGGATAACGTGTACGATATGAAGTACATGATGCGGTTCTGCCAGAGTCTATACGGGGG  
TTTGACCGGATAGCGAAACTATGAATGTGAACGGGCGGTGGGAAAGTGCCATCAAGCCGGGTCAGATA  
GCTTGCTGACGTGGCATGCCTTTCAAAGATGAGAGATACTTTTTTTGTAGAGAATGAAATGCACAAACATGC  
TGGGGTTTTGTACGGTTTAGAGGTCTTCTAATCTAAATCTAAAAATGTACCGTAAATAAATTTAATTTAAAT  
ATATACCATATATTATTTGTTTTCTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1527 AY039530|Arabidopsis thaliana AT5g05990/K18J17\_19 mRNA, complete cds

AAACCCATAAACACAAACCCTTCTTCCTCTCTCTCGCTTCCCAAACCAAAAATGGCTCTTGATCCATTATCAG  
AAAATCCGCCTCCTCTCTCTGCCCCTTAGCCGGTCGTCTCTTCGGGGCCAACGACTTTACGCTACTTCTATTTT  
CAATTCCTTCAACACCCACCGCCCCGCTTTTCCGTCCCTCGGTCACTTCTTTTCGAGATTTTCTCTTCAAATCGC  
TCAAGTTCCGATGAGTCTCTCTTCGAGTCATTGACTCCGAGATCCAATGCGCCACCGAAACTGACGATCACGA  
TCGGGTTGAAGAGGTGCCCCGAAGGATTCCCATTTGAGATTCAAGATCACCCCGGCTTGCAAACCTGTAACCTTG  
AAAAGAACATATCAGGATGAAGTCATTGTTGTTGAAGTTCACATGCCTGATCTAGTTACTGGTCAGAATGCTA  
ATGACAATGACGAGGACGACGAGGAGGATGATAGTAAGGCAAATCAGTCTTGTATCCCTTTGGTTGTTAGTG  
TCTCTAAGAAAACCTGGGCCTTCCCTAGAGTTTAGTTGCAGCGCTTACCCTGATGAGATTTCCATAGACAGCTTG  
GTCGTTAAAAATCCAGAGCATTCTGACGATCAAATTGCCTATGAAGGCCCTGACTTCCATGATTGGATGAGA  
ATCTTCAGAAGGCCTTCCACAGGTATTTGGAGATTAGAGGTATTAAACCGAGCACAACGAACCTTCTTGATGA  
GTACATGATCAACAAAGACAGCAGAGAGTATTTGACGTGGCTGACCAAACCTCAAGAGCTTTGAAGCATAAGA  
AGAATAAACTTCTATAGCCAATGAATCAGTCTTCCCCTTTTGTGTTTAGAGTGTTAACTATAATTTCTTTCATCTTT  
TCGTCCAGAATGAGCGTTTGAGTCATGAACCTATCCGAGATTATTATTCTGTTACAATTAAGAGGTTTATTT  
GTGTTAGATTCAGTAGTATGCGTCATTGGCAAGCATTTTGTATCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1528 NM\_129570|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT2G40120) mRNA, complete cds

CTTAGATGAAATCAAACCTTCTAAAGCTTGTCACAAACATGACCCTGCAGATCAGTGCCACATTTTACGGCTTT  
ATGACTACTTTTATCATCAGGAACATCTCTTCATTGTTTGCAGCTACTCCGAGCAAACCTTGATGAATTTCAA  
AGTTCAATCAAGAATCTGGTGGAGATGATTATTTTACATTCTGTAGGTTGCAGGTTATTACACGCCAATGTTTG  
GAGGCATTGGAGTTCTTGATCATTTAGGAATCATTCACTGTGATCTAAAGCCAGAAAACATTCTTATTAAG  
TTACAAACGGTGTGAGATTAAGGTTATTGACCTTGAAGCAGTTGCTTTCAATCAGATAACTTGTGCCTATACG  
TTCAGTCACGATCATATAGAGCTCCCGAAGTAATGCTTGGTCTCCCATACGATCCAAAGATTGATTTGTGGTCC  
CTCGGTTGTATATTAGCTGAGCTATGGTCCGGAGAAGCATTGTTTCCGAACGACGCAGTTGTAATGATCCTTG  
CACGCATGATTGGATTTTTCGGTCCCATCGACCTGGAGATGCTCCTTAAAGGACAGGAGACACACAAATACTT  
CACTAAAGAATATGATCTGTTTTATATAAATGAGGAACTGATCAAATGGAATTTATCATCCCTGAAGAGTCTT  
CCTTGGAGGATCATCTGCAAGTTTTCGACCCGGGGTTCATTGATTTCTTACAAGCTTGCTTGAGATCAATCCA  
GAAAGACGACCAACTGCAAAGGAAGCCCTCGCACATCCATGGCTTTCGCAGTCGTATGATTAACCATTGTCAT  
AAAAAAATTTTGAAAAGTAATTCATTACTCATCAAATAAATTAAGAAAAGTAATAAAAAAGAGGGCAAAAGAA  
GAAAAAGAAAAAAGAATTGGTTTCTGGTTTGTCTTTTACATACATGATACATGTGTATATGCATGGAGGTTCT  
TTGCATTTGTATATTTGTGCTTTTGTGAGTATAGATTGAGCCCTCCTTTTTTTTTTCTTTTTCTTTTGTAATTT  
ATGGAAAGAAAAGTAGAATTGTTTGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1529 NM\_201892|Arabidopsis thaliana ATTIM17-2; P-P-bond-hydrolysis-driven protein transmembrane transporter/ protein transporter (ATTIM17-2) mRNA, complete cds

AAGGCTATTAAACTCTCTTCAAAAACCTATGTTAGAATTTGGCGGTGGCCAGTGAACGCATCAAAGAGAAAA  
ACCCTAAACTGATTGTATCGACGCTATGGGAACGCCGAAACTTCCAGGGAACCTTGCCCCGATCGTATTCTC  
GATGATATAGGCGGCGCTTTCGGCATGGGAGCTGTGGTGGTTTCACTTTTATTAAGGTCTTTACA  
ATTCTCCCAAGGGATCCAGGATTATCGGCGGTACTCAGGCTGTCCGAATGAATGCGCCGCGCGTGGTGGAA  
GCTTCGCGGTTTGGGGTGGTTTATTCTCTGCTTTCGATTGTACCATGGTCTATGTCCGCCAGAAGGAGGATCCA  
TGGAATTCAATTATCGCTGGCGCCGCTACCGGAGGTTTCTTCAAGATGCGACAGGGACCTGCATCGGCAGCTC  
GTTTCGGCGTTGTTTGGCGGCGTCTGTTGGCTTTGATTGAAGGAGCTGGAATTATGCTCAACAAAGTTCTGAG

CCAGCAACAGAATATGCCTGTTGTGATTGAGGAGCCTGCTGGTATGGGTGGTGTGCCTGGGTATCCTACAGG  
CCAGCTACCTGGCCGTGCTCCTCCCATGTCTCTGCCACAAGCTGAATTAGCAAGTATTTCTTCTTCTTCTTCT  
TCTTCAGATTCTGGTAATGGCTCGTGGTTCGGAGGTTGGTTGGCGGAGGTAAGAAGAAGGAATCAGAAGTA  
TCGAGTGGAGGAAGCGAGACGACGATTTTGGAGAGCTTCGATGCACCGCCTGTGCCAAATTTTGAGTTCAAG  
TAAAATATTTTATCTGGGGTTTTAAGGCTTGTGATAAGCTGAGATTTTATATAAGTAGACAATAAATTCAATT  
GTAGAATGTATGGTGTGTGTTATAGCCTTATAGGTTACTCCTAATTAACGATTATCGTGCAATCAGCTGACATT  
GTTCTAAAGTTATCAAATTATCATTTGGGTTATGCTGAATTGTACAATAAGCTTGTAGGCTTTATTGTTGGTATT  
ATTTTCTGTTGTAAATAAATTACCACTTTATGGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1530 XM\_002314406|Populus trichocarpa histidine phosphotransfer protein, mRNA

AGGGAGACTTTGATTGTCTTTGTTAGAAAGAAAGAAAGATCCTCAAAATTCAATCCAATCCAAATCCACTCTCT  
TCAAGAACCTGCTTTCAACTCTGCTTCTTCTTCCACCTCCGCCAATACAAAATAAAACCCACTTCATATTTCTCC  
ATTCTTCACTAAAATCCCTGTCTTCAGAACTTCATTTCTAAGATCTCTGTTGTCTCTACTTCAACCCCACTTTTTT  
TGAATCACACCTTCTGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTAGCTCGTAATAATGGAGGTAGG  
ATTGATGCGAAGACAGTGGATTCAAGTATATAGAAGGCTTAATCCATGAGGGTACTCTGGATGGTCAGTATTTG  
CAGCTTTTGCAACTGCAAGATGAGAGTAATCCAACCTTTGTTTCTGAAGTGGTGACTCTTTTCTTGAAGATAC  
CGAGGAACCTTCTCAATAAACTGAGAATCGCTATATCACAGCCACCTGTGGACTTCAAAAAGATTGATGACCAC  
GTACACCAGCTGAAGGGCAGCAGTTCCAGCATAGGTGCTAAGAGTGAAAAATGCCTGTATTGACTTCCGG  
AGCGCCTGCGAGCAACAGAGTCCCGACTGGTGTTCAGATGCCTGCAACAAGTAGAGCAAGAATTCTATGGT  
GTGAAGGAGAAGCTCAGTTATCTATATGCACTGAAAAACGGATTTTGAATGCTGGTGGATCCATTCCCGCGAG  
ACTTGAGTTTCTAACTGACAGAATCCATGGAAACCAAGATTTCCGTTCTGTTCTGTGGAGTCTTCTTCTTTT  
GTTCCCTAGGTTCTTAAATTGACTGTTACTTGTGCTTGTACAAATTCAAAACCTTTGCCTTTTTCACTCAGAACG  
TCATTGTTTTCTACAGCTGATTTGACTTTCAATTCTTCGGGTCTGTTAAGCTGAAGTGTATTTATTGCATAGAG  
TCCTAGAAGATTTTCTGGGTGCTTTCAAAGAGGCAATACTCTCTTAGTCTCTTATATATCTTTGTTCCCTTCGT  
ATTCTGCTAATCGAAGCATCCTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1531 Z73932|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB1C

AGTTTTGCAATCTTTTATTTCCATCTTCTTCTCCCTATATTTCACTTCTTTACTCTCTTCTCCTTCATCTCTCTCG  
TTCTCGCCCTGTGGATCGTCCGCCGGTCTGAATTCTCTTGACCGGTTCAACTCCGGTTGAGCTCCCCCAACCC  
CATTCTAGATCAACATTTGCCAACAATCATGAATCCCGAGTATGACTATTTGTTCAAACCTTGCTTATTGGAG  
ACTCTGGAGTTGGGAAATCATGTCTTCTGTTGAGATTTGCTGATGACTCATACTGGATAGTTACATTAGTACC  
ATTGGAGTTGATTTTAAAATACGCACTGTGGAACAGGATGGAAAGACCATTAAACTTCAAATCTGGGATACTG  
CAGGACAGGAGCGTTTTAGGACCATCACTAGTAGCTACTACCGTGGGGCACATGGCATAATTATTGTTTATGA  
TGTCACAGACCAGGAAAGTTTTGAAAATGTCAAGCAATGGTTAAACGAAATTGACCGTTATGCAAGTGAAAAC  
GTAAACAAGCTTCTAGTTGGCAATAAGTGTGACCTCCCAAATAGAGCAGTGTCTACGAATCAGCAAAGGCTT  
TTGCTGATGAGGTCGGGATCCCATTTATGGAGACAAGTGCAAAAGATGCTACCAATGTAGAGCAGGCATTTAT  
GGCCATGACTGCTGACATTAATAAATAGGATGGCAAGTCAGCCTGCAACAATGCGAGGCCACCGACGGTGCA  
GCTACAGGGACAACCCGTTAACCAGAAGGGTGGATGCTGCTCCTCTTAGTTGGTTCTTTCTTATATTCTGTATG  
CATTATGCGCAAATATCAAAGTTGCATTTGAATCTTTCTCTATAAAGTATATCTGATATCCCATTCAATTTCAA  
GTAGACCTTGAAGTATTACTCTACACCTTTCTGTATTACTGAAGCAGTAGTTCCTTTTTTCTTTTCTTTTCCA  
ATACTTGTTTTGAGTTTATGTGTAGCGAACTTTCAAAAAGTATAGTTCAAAGTCATCTCTCAGGTTATTTGCCTC  
ATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1532 AY050901|Arabidopsis thaliana At4g00170 mRNA sequence

AAAATCAGTTTTGTGTCTGTTGCTGCTCCGAAATTTCTCTGGTCCCTCTTTTTGTTTTGGGAATTTATAGATCC  
ATGATAATTTTTTTCATTATTCTGATCGAGTGTTTGGGTGGATTTTGAAATCTGCTGGGATCAAGGGCGACAAAA  
ATGAATACTGGGGATTATATCAATATTC AACCTCCGAGCTCAAATCCCATTGAAATTGAGGAAGCAAAGTTC  
TTGTTCTTGCAATTGACCAACAAAACGGACAAATATGTTGCCTTCAAGGTCAAACCACCAATCCTAAGAAGT  
ACTGCGTTCGTCCTAATGCTGGAATTATTTGCCTAGTAGTGCAAGCAATATTACAGTTACCATGCAAGCTCCT  
AAGGAGGCGCCTCCTGATATGCAGTGCAAGGATAAGTTCTTAATTCAAAGTGTTGTAGCACCAGATGGTACAA  
CATCAAAGGACATTAGTGCAGAATTGTTTAACAAGGGAGATGGTAAGGTAGTTGATGAATTTAAGATGAGGG  
TTGTTTACATTTTGCAAATCCTCCGTCGCCTGTCCAGAAAGGATCTGAAGAAGGATCTCCTCCAAGGACCACT  
GGAGTTGATGATGGAACCAAAAATTTGCTTTATTTGATGCCGTTTCAAGATCTCTGGAGGAGCCTAAAGAGA  
AATCATCACAGGCATGGTCTAACGTTTCTAAGTTGACCGAGGAGAAAAGATGCTGCTCTACTAAAGAATCACAA  
ACTACGCCAGGAGCTGGAACCTTCTGAGGAAAGAAGCAAGCGGAAGGCAGGGTGGCGGTTTCTCTGTATTGTT  
CGTGGTGCTAGTCGGTCTCATCGAGTTCTGATTGGTTACTTGGTGAAGAAAACATAGAAAACCTCAGGCATTCT  
CCTTTTTTTTTTCTTCTTTTGTTCGATGCATTTTGCTGTTATTATCTGTGTTTTGCCAGAAATTAACAACCTAAA  
ATGTTTAGTGATCAAAAAGACACCTTTGATGTTGATCATCGTTCTAGATTGACTCTGGATTGTTTTTTTGAGA  
AATATTTGTTGAATGGATTGTTTTAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1533 FJ708743|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

TGCCGTGCCCCTGTTCCAGCTGAAGTTCCTCCCTGAAGCCTCTCACTAAAAATAAAATTACCTCAACTTTTGC  
GAAACCTTTTACCATTGCATCCCTCAGCAATATACAAACAGCTTTTACAAGATAATCTTCTAGGAGAAGGAA  
TGCTGGGCAATGTTTATAGGGCACACCTCCCAAGTGGGAAGGTAAGTGGCCGTCAAGAACTGGATAAGAGAG  
CATCCAGTCAGCAAAAGGATGATGAGTTTCTCGAGCTAGTCAATAATATTGATAGAATCCGACATGCTAATGT  
GGTTGAGCTCTGTGGTACTGCGCAGAGCATGGTGAAAGGCTTCTTATCTTTGAGTATTGCAGTGGTGGAACA  
TTGCAGGATGCACTGCACTCAGACGAAGAGTTCAGAAAGAAGCTTTTATGGAATGCCCCGATTAGAATGGCT  
CTTGGGGCTGCAAGAGCCTTGGAGTATCTGCATGAGGTCTGTGAGCCACCTGTTATTCATAGAACTTCAAGT  
CTGCGAATGTCCTACTGGATGATGATCTTTCAGTGCGTGTTCAGATTGTGGGCTGGCTCCACTAATATCAAAA  
GGAGCTGTTAGTCAGCTCTCTGGTCAGCTTCTAACTGCATATGGTTATGGAGCTCCAGAATTTGAATCAGGTG  
TTTATACACTTGAGAGTGATGTTTACAGCTTTGGTGTGGTTATGCTGGAACCTTCTAACTGGCCGGATGTCTTAC  
GACAGAACAAAGGACCCGAGGTGAGCAGTTTCTAGTTAGATGGGCAATTCCGCAGCTTCACGACATAGAGGCA  
TTGACAAGCATGGTTGATCCTTCACTCAATGGTCGATACCCTGCCAAATCCTTGTCGTACTTTGCCGATATCATA  
TCAAATGTGTTCAAGTCCGAGCCTGAATCCGGCCACCAATGTCGTCGGTTGTTCAAGGACTTGCTCAACATGAT  
AAGGAGAGAACCACAAGGCAGTGGTTCAAGTGAAGATTGATATGGTTTTTGCTTAGAGTTAACCAATCCATTCT  
AGCTAAGAAGCAAAATAACTTCTGAAAAATTTGCCATATTTCTCGTAAAAGACGATGCAAAGTGCA

>trans\_c\_1534 AF528526|Glycine max 40S ribosomal S4 protein mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCAAATAAGCTAACAGCGTTTCTCTTTAACAGCAAAATCACAGAAGCAA  
ATGGCCTCCTCAAAATCTATGGCACAAATAAATTGTCTCACAGACAACTTAGCCATAAATAAAGAGAGC  
AAAATTCGAGAAAGATATTTGTCTATCAAAAAGGATTACTCATGACTACAATTTAGTATTAACCTCAAACTCTT  
AAGCAGTAACTGCTGCTTGGCTAGCAAGCCTCTTCTGGCTTCTCAATGATGGTTAGTTTGATACCTTCCCTT  
GGGGGAGGGACACCCATGGCTTCGTCCCCTTCCCAATTGTAAACACATTACCAAGTCGAGTGACAAATTCATG  
CCCAGTTGCATCCTGTATGTGAATTGTCTCAAAGCTTCCCTGTGCTTCTCTGTTCTTAATTACTCCCACTCGC  
CCTCTGTTTCTCCCTCCTGTCACCATCACAAATTTCTACATCGAACTTGATGAAATCAGCAATTTTGTGTTGACT  
CAAGGTCTAACTTGATGGTGTGCTTTGCTTTGATGAGGGGGTCGGGGTAACGAATTGTACGCCCATCATAAGT  
GTTAAGATAAGGGATTCCCTTCTGCCCAAATTGCACTGAGCGAACCTTACAGAGCTTGAACCTTAGCCTCTTCAT

CCCTGATTGAGTGAAGACGGAAACGACCTTTTGTGTCGTATAGAAGCCGGAAATTCTCGCTTGTGTTTGGGAAT  
GGACACAACATCCATGAAGCCAGCCGGATAGGTCTTATCAGTCCTGACCTTGGCATCAACTAAAACATGGCGT  
TGCATCAAAATTGCAATAACCTCACGGTATGTAAGAGCATATTTCAACCGGTTTCGCAATATAAGGATTAATG  
GGAGACATTCTCTTGATTATGAGGTCCTGATGAAGGTTTGGGAGCAAATGCACCACCAAGTTTGTGCGAGCAT  
CCAATGCTTGGGAGCATTAAGCCTCTTTAAGTGTCTTCAAACCTCTAGCCATGTTGTGCGAAACAGAAGGTTT  
CAGAGGGCAGAGGAGATTGCCGCCGGCCGAGAGACGTAGAGCTTAAGAGGAGAGGT

>trans\_c\_1535 NM\_001050300|Oryza sativa Japonica Group Os01g0658700 (Os01g0658700)  
mRNA, complete cds

CTTTTTGAAATGGATCATTCTGGGGAAGCCAGTAACCAGAAACCAGCAGTTGAAGTTGCCAAAGACAAGAAT  
GGGGTAGAACAAGTGCTGCTTCGGAACCTCTGAGGAGCTTCAGCAAGGGTTAGCTTGCATGGAGGCCAAGTT  
CTGTCTTGGAAAAGTGAAGAATTATTGTTTACCAGTTCTAAGGCAATTTTAAAGCCACCAAAAAG  
CTGTGAGAGGAGGAATTCCAATTTGTTTTCCGCAGTTTGGGGCTCGTGGAACCTTGAGGAGCACGGGTTTG  
CTCGTAACAAGATTTGGAATTCGATGATAATCCTCCTCTTAACCGAGGTGAAATCAAGGACAAATCCTG  
CATCGATTTGCTTCTTAAACCTTCTGAAGATGATCTGAAAATATGGCCACATAGTTTTGAATTCAGACTGAAGG  
TCTGTTTGGCAGCAGATGGGAATCTCATATTAATATCACGAATTCGGAATATCAATTGCAAGCCTTTCAGTTTC  
TCAATTGCATTCCACACATATTTCTCCATTTCTGATATCAGTGAAGTAAGAGTTGAGGGGCTTGAGGTTCTCGA  
CTATCTCGACAACCTTACATGATAAAACAACGTTTCACTGAGCAAGGAGATGCCTTAACATTTGAATCAGAGATTG  
ATCGAGTTTATCTTAGTTCTTCAGATCTCATCGCGGTGCTTGATCATGAGCGAAAGCGCACTTTTGTGTGAGA  
AAGGAAGGACTTCAGATGTTGTGGTGTGGAATCCATGGGAGAAGAAAGCAAAATCGATTGTTGATCTGGG  
GGATGAAGATTACAAACAGATGCTTGTGTTGATGGAGCTGCAATTGAGAAACCTATTACCTGAAACCAGGT  
GAGGAATGGACTGGCCACTTAGAACTATCCGTCATCCCCTCAAGTTAATGACATGTATGTTCTCTAAAGAAG  
AAGGATCGAACATGGTCGGGATTCAGATAAAGCCATTGAAGTTTATAAATGGGGTATATGGTAAGTATTTTTG  
TGTTTTGTTCTAACCAATTGTTGTCAAGAGTAAATAACTGAGAACAATCAAGCTAGTTTGATTTGATGT

>trans\_c\_1536 AY104572|Zea mays PCO087857 mRNA sequence

GCCTTCCTTCCTTCGTATAACCAAACGAAACAACGCGAAGACCAGAAATCCAGCTCTATCTTGCGCGCGCTCG  
GTTCTTCCTTCTCTGAAGCGATGAGTCTCTTCGGTCTAGGCAGAAATCAAAGGACTTTTCGCCCCAAGAAGAGT  
GCACCATCGGGGAGTAAGGGGGGCTCAACTCAGAAAGCATATTGATGCCACACTCGGTAGTGGAATTTAAGG  
GAAGCAGTGAGACTTCCAAGTGGGAGGATTTGAATGAATGGCTGGCTGTCAATACTGTGGATTTCTTCAACC  
AGGTGAATTTGCTATATGGTACCCTCACAGAGTTCTGTACTCCTGAGAATTGTCCTACAATGACTGCAGGACCC  
AAGTACGAGTATAGGTGGGCTGATGGTGTACAAATCAAAAAGCCATTGAGGTCTCTGCTCCAAAATATGTTG  
AATATTTAATGGATTGGATCGAATCCCAGCTTGATGATGAGTCGATATTCCTCAAAAGCTTGGCACACCATT  
CCTCCCAACTTCAAGGATGTCGTGAAGACGATATTCAAAAGGTTGTTCCGTGTATATGCCACATTTATCATTC  
TCACTTTCAGAAAATTGTGAGCCTTAAGGAGGAGGCACATTTAAATACATGCTTCAAGCATTTCACTTTTTTA  
CTCATGAATTTGGTTTAATTGACAAAAAGGAGCTGGCTCCACTTCAAGAGCTGATCGAATCCATTATTGTTCCA  
TACTGAACAGGGTTTGGCATAACTGGACAAAAAAGAGAAAAAAGGAGATCCTATTCTATTCTAGGAACACAA  
CTAATTAATAATCAATTGGTTTCTGAATTTTAATGTAATATTTATATGTTGTCTTTGTTCTGTGTACATGGTT  
CTGTGTTTGGATATTTCTAAGGGTTGTGGAACTGCTCCCTACTCTCCCATGAACCAAGCTGATTTAAAGAA  
AACCAGCTTCTTGATTCAAAGGGAATGAAGTTGGAACGCTTGTTAGTTTCATGTTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1537 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TTGCATTGATTTATCCTAAAGTTTTTCATTTCAATTGGAATTTGCACCATGTAGCAGGATCCCCGCTAAGCATCCA  
TGGCTGAATGGTTAAAGCGCCCAACTCCGCCGTGGCGAATTCGTAGGTTCAATTCCTACTGGATGCACGCCAA  
TGGGACCCCTCAATAAGTCTATTGGAATTGGCTCTGTATCGATGGAATCTCATCAGCCATACATAACGAATTGA  
TGTGGTATATTTCATATCATAACATATGAACAGTAAGAACTGGCATTCTTATACAGACTCGAACTCATAGGGAA  
GAAAATTTATGGATGGAATCAATATGCAGTATTTACAGACAAAAGTATTCGGTTATTGGGGAAAAATCAATA  
TACTTTTAATGTCGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTGCAACTCTTCTTTGGTGTCAAG  
GTAATAGCTATGAATAGTCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGGGACCTATTATGGGACATACAATG  
CATTACAGACACGCAATCATTACGCTTCAACCGGGTTATTCTATTCCACCTCTAGAAAGAAAAGAACTTAAAT  
CAAAATACTTAATAGCATGGCGATACATTTATACAAAACCTTCTACCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGAC  
AGTCAAGTAAATCCAATCCACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGTCGTAATGCCA  
GAGGAATCATTACCGCAGGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTACCCGCTCGGGGATCAGG  
AATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACATTTGTCTCA  
TACACTATGGGGATGGTGAGAAAAGATATATTTTACATCCCAGAGGGGCTATAATTGGAGATACCATTGTTTC  
TGGTACAGAAGTTCCTATAAAAATGGGAAATGCCCTACCTTTGACCGATATGCCCTTAGGCACGGCCATACAT  
AACATAGAAATCACACTTGGAAGGGGGGACAATTAGCTTCTTCAGTTGGTCCTGTCTGCTGACGCGT

>trans\_c\_1538 XM\_002892918|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphoric monoester hydrolase,  
mRNA

GCAGCAGACATAACATTTTTCTTCTAACGATACAGTTTTCTAAGATTTTCCACAGAAAAATGGCCGGAATC  
GTCGTCGTTTTTGACTTCGATAAGACGATCATTGACTTGGTAGTGATAATTGGGTGGTGGATGAACTCGGCG  
CCACCGATTTGTTCAACGAGCTCCTCCCTACGATGCCATGGAACCTCGCTCATGGATCGTATGATGGCAGAGCTC  
CATGCACAAGGGAAAACCATTGACGACATCGTTGAAGTCCTTAAACGCGCTCCGATTCATCCCGATGTCGTTT  
CTGCCATTAGAGCCGCTCACGCCCTAGGATGTGATTTGAGGATTGTGAGTGATGCCAATATGTTTTTCATCGA  
GACGATTTTAGATCATCTCGGAATAAGAGAATGCTTCTCCGAAATCAACACGAATCCAGGTTACGTCGATGAG  
GAAGGAAGGCTGAGGATTTTTCTATCCACGATTTCCATAAATCCTCTCACGGATGCAATCTTTGCCCTCCGAA  
CATGTGCAAGGGCCTCGTTATGGAGAGGATTCAAGCGTCATTAATGGCAGAAGGAAAGAAGAAGAGGTTCA  
TCTATTTAGGAGATGGAAGTGCGGATTACTGCCCTAGTTTGAAGCTTGAGAGAAGGAGATTTTCTGATGCCGAG  
GAAGAATTTTCCACTGTGGGATTTGATTAGCCAAAACCCGCTCGTGATTAAGGCAGAAATTCACGAATGGAGC  
GATGGAGAAGAGTTGGCGAGGATCTTATTGAACTTAATCAAAACCATTTCCATGGCGGAAAAATGCTCAGTTCT  
TGGCTCCTCAAGATATGGGTGTTCTGTGTACGAAGCTCTGCCTTCGCCACACCAAAAACAGCCATGGTGGC  
CAATTAACCTCAATTATACGAATACCCAATTTCTCAACCAACAACAGCATCTACCGATTACTTTTTTTTTTGG  
GTTTAATTACTTTAAGTATGCAGTGAAGATTATGTATAGTTGAAGGTGTAATTTTGGCAACGCCATACACCAA  
TCAGGAATTTCAACCATAGTTTTAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1539 NM\_115944|Arabidopsis thaliana zinc finger (DHHC type) family protein  
(AT3G60800) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGAAAAAAAATACAATAAACTGAAAAGAAAAAAGGAAATAATTTATTT  
TCCTATTTTTTTCTTCACTTTTTCGCCGGGAATCCAGACCCCATCATCTCATCTTCTTCTGTCTAAATTCCGA  
GAAAACGATACGCTAAATTCGATCCCTTTCCCTTCGCTCTTAAATTTGTAGTCTCCACGAAAGCGAAACACTGA  
AAAACAAAAAACAAAAAACAAAAAACGAAAAACATCGAAATCTCCGATTTTCCACTAATTTTCATTTCCC  
TTTTTGTTCCTCCCCCATAATCTTGACAACCCAGCTGATTTTTTCGCTACCACTCGGATCACGACGAGGCCTCC  
GTCGGATTCGCCGCCGGAACCGGCTGCGTTTCGGCTTCGATAAATTTCCGGCGACTTGTTTCGGCTAATTTCC  
CCAAGTTATGCATAGATCTGGACCGGCCATGGCTTGGAATGTCTTCAAGTTTTGTACGGCCTTGCGAGGTCTT  
GGTTCGATCATGATTCTTTTGGTTCTTGGGGTTGTCGGTGTACCTATTACGCCGTCGTTTTGACCAACTACGG



CCCCGCTCTCTACGATGGCGGTCCCGATTCTCTCATTGCTCTTGCCGTTTTGATCTCCTTCCATTGTTTGTGGTG  
ATGCTGTTATGGAGTTACTTTTTCTGTTGTGTTGACTGATCCGGGTAGTGTTCCGCCCAATTGGAGACCTGTTGT  
TGATGAAGAACGAGCGGAAGGCGACCCGTTGAATACAATGGAATTTAGCATTTTGCATCCGGAGCTATCAAA  
TCAAAGAATACGATATTGTCGAAAATGCAATCACCTGAAAACACCACGCTGCCATCACTGTTCTGTTTGTGGA  
CGATGCGTACTGAAGATGGACCATCATTGTGTGTGGGTCGTTAATTGTGGAGGGGCTCTGAATTACAAATACT  
TCCTTCTCTTCTGCTGTACACATTTCTAGAGACGAGTGTTGTGACACTGTCTTTGTTGGCACACTTTATTGCATT  
CTTAGTGAAGGAGAGATACCTGGAACACCCAGTACACTTGCTACGACCT

>trans\_c\_1540 NM\_121190|Arabidopsis thaliana ASP3 (ASPARTATE AMINOTRANSFERASE 3); L-  
aspartate:2-oxoglutarate aminotransferase (ASP3) mRNA, complete cds

AATTCCAACACTCCCATTCTAATACCGATCCAACCGATCGAAGAATTAACGCTCTCGTTCGGCATCTGGTTGA  
ATCATCTGCATCTGCTATGGCTGATTCTATCTCTGTTTCTCCTACTTCCTCGTTGAATACTGATTCCGTTTTCTGCT  
CATGTTGTTCTGCTCCTGAAGATCCTATTCTCGGGGTGACTGTTGCATACAACAAAGATCCGAGTCCGAACA  
AGTTGAATTTGGGCGTTGGTGCTTAGGACAGAGGAAGGAAAACCTCTTGATTGAACGTTGTCAGAAAAG  
CAGAGCATCAGCTTGTTAATGATAGTTCACGAGTTAAGGAGTATCTTCCGATTGTGGGACTGGCGGAGTTTAA  
TAAACAGAGCGCGAAGCTTATTTTTGGCGCTGACAGCCCTGCTATCCTTGAGAATCGTGTCACACTGTTCAAT  
GCTTGTCGGTACTGGATCATTGAGGGTTGGTGGTGAATTTTTGGCAAGACATTATCATGAGCGGCTTATATA  
CATTCCCATGCCAACATGGGGGAACCAACCCCAAAGTTTTTACTCTGGCTGGCCTGTCTGTAAAACTTACAGAT  
ATTATGATCCTTCAACACGGGGGTTGGATTTTCAAGGCCTCTTGGAAGATCTTGGTCTGCCCCATCTGGAGCT  
ATAGTTTTGCTTCATGCATGTGCGCACAACCCAACTGGTGTGATCCAACCCTGAACAATGGGATCAGATCA  
GGAAGTTGATGAGATCAAAACAGCTTTTACCTTTCTTGACAGTGCTTATCAGGGTTTTGCCAGTGGGAGTTTG  
GATAAGGATGCACAGCCTGTGCGCTTATTTGTTGCTGATGGAGGTGAATGTTTTGTAGCCCAGAGTTACGCAA  
AGAATTTGGGGCTATATGGAGAACGTGTTGGCGCTTTAAGCATTGTCTGCAAGAATGCTGATGTCGCAAGCA  
GGGTAGAGAGCCAGCTAAAACCTAGTGATAAGGCCCATGTACTCAAACCCACCCATTACGGAGCATCTATTGT  
CGCTACAGTCCTGAAGGACAGGGATTTGTTCAATGAATGGACTGTTGAATTGAAGGCCATGGC

>trans\_c\_1541 XM\_002882617|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata anion-transporting ATPase family  
protein, mRNA

ATTTACCGCCACTCTATTCTCTTTTTCTGTTTGATTATATATCCATTTTTTTTTGTTAGCTGCTTGGATTTTGA  
TTGATAATTTGTAATTACTACTTGCGCTCAAACTATCGTTTGAATATGCGGAATTTGAAGTTCAATGTCGAT  
TTTTGGTAGTGAATAACTTTTCATTTTGTCTATAAAGCAGTTAGATCAGTGGCTACCCCTGCGGAAGGTGTTGC  
AGGGTTTGAGAGTATGATCTCTGGAACCGAGCGGAAGTATTACCTATTAGGTGGGAAAGGAGGTGTTGGGA  
AGACAAGTTCTGCTGCCGCTCTAGCTGTAAAGTTTGCAAATAGCGGCCACCCACGCTTGTTGTGTCTACGGAT  
CCAGCACATTCGTTAAGTGATTCATTTGCTCAGCATTTGACTGGCGGTACACTGGTACCAGTTGAAGGTCCAG  
ACTCTCCATTGTTTGCCCTTGAGATAAACCTGAGAAGGCTAGGGATGAATCCGCAGTACTGCTCAGAAAAA  
TGGTGGAAGTGGCGTAAAAGATTTCTGTTGATGGCATGGGCCTTGGAATGCTTGTAGACCAGTTAGGAGAGTT  
GAAACTCGGAGAATTGCTGGACACACCGCCTCTGTTTAGATGAAGCTATAGCAATTGCAAAGGTCATCCAA  
TTTCTGAGTCTCCAGAGTATAACATGTTCACTCGCATAGTTCTTGACACAGCACCTACGGGTCATACTTTGAT  
GCTTCTATCCCTCCAGACTTCTTAGATGCTTCCATAGGCAAGATATTGAAGCTTAGACAAAAAATAGCTTCAG  
CAACCTCAGCCATTAAATCTGTATTTGGGCAAGAAGAAAAGCGGCAGGATGCAGCTGACAAGTTAGAGAGAT  
TAAGAGAAAGAATGGTAAAAGTTCGAGAGCTTTTTCTGACAAAGAATCTACGGAATTTGTCATAGTTACAAT  
CCCCACGGTTATGGCCGAAATGAATCATCAAGGTTGCATGCTTCTTGAAAAAGGAATCTGTCCCTGTCAAG  
AGGCTTATTGTGAATCAGATTCTTCTCCGTCAGCTTCAGATTGCAAGTTTTGTGCAATGAA

>trans\_c\_1542 NM\_129819|Arabidopsis thaliana TTL3 (TETRATRICOPETIDE-REPEAT THIOREDOXIN-LIKE 3); binding / protein binding (TTL3) mRNA, complete cds

GCCATGGTTGAGATGGCACTGGGAAGGTTTGATAATGTAGTTCTGGCAGCTGAGAGAGCGGGCAAGATTGA  
CTTTAATAATCTTGAAGTTGCAAACCTGTTGAGCACTGTGAAAATGGTAGCAAGAGCTCGTTCTAGAGGTTTT  
GATCTTTTTAGCTCTGGTAGATATACAGAAAGCCTGCACAGCATATGGAGAGGGCCTCAAGTATGATAGTTCAA  
ACCACGTTCTTTACTGCAATCGAGCCGTGTGTTGGGCCAAGATTGGACTTTGGGAACAATCTGTTCAAGGACTG  
CAATCAAGCCCTCAATATTCAACCGAACTACACGAAGGCCCTTCTTCGAGAGCCGCTTCAAATGCAAAGCTTG  
AAAGATGGGAAGATGCTGTGAAAGATCTAGAGGTTTTAAGGAGAGAACTTCCTGGAGACCATGAGGTTGCTG  
AATCTCTGCATCAAGCACAGGTTGCATTGAAGAGATCTCGTGGAGAGGTAGTTGATCATAGAACCGTAAGTG  
GTGAAGTAGAGGAAGTTTCTACTCTTGATAAACTGAAGGCTGCAATTCGTCAACCGGTGTTTCCGTGGTTCA  
TTTCAAAGTTGCAAACAATATATGCGACGAAACATCTGCATTCTGTAATATGCTATGCATACGCTACCCCTCTG  
TTAAGTTTATAAAGGTGGATGTGGAGGAGAGCATGACCTTAGCGAAGGCTGAAGGCATAAAAAACCGTCCAG  
CATTCAAATTTACAAGAATGGAGAGAAGTTGATCGAAATGATCCGACCAAGCCACCATTTTTTGGAGGACTC  
AGTGAGAAGTTGTATTCTTCAACAAACTGCCAGCACTGTCTCATGGTTCAAACCTCTACAACATTTGAATGG  
GAACTTTTATCATACAGAAAAAGCTAGTAATTTTACCTGTAACATAATCAACTACATAATTGTTTCCTANGATT  
TAGGCAGAGGAACCTCAGAGACTAAAAGTTTCTTACTTCACATTTGCGGAAAATTATTTCTTTCATTTGTAAT  
ATTTCAAGCATATTCTTCTTATTGTAATCCCATTTTATTTTGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1543 BT012589|Arabidopsis thaliana At5g59410 mRNA, complete cds

AGGAAAGTAGCAAAAAAGTTCTTCAGGTTTTAGAGAGAGATTTTGGTGACCCAATAATTTTCATTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGGAACACTACAATTTCCCACTTCAGATTGAATCCAAATTTACGAATTTTTTTTTAGAAATTT  
TGAATGGAGAGAGATTTACAGAAAGCCGTCTTCTGAATTTGTTTATTTCGATTTCCCTCAATTTATGGCGTTCTT  
GTTTTTCCAAAACCTAGTAATCAGTAGCATCTCCCATCTTCCCTCTCCATACTTCACTGGGTATCTCGAATT  
TTCCCCAATTTTTCGATTTTCGGAGCAGTCAGCATGAAGGACGGGAAAACATGAAGGTCAATTCTCAGTTGC  
AGCATCAGAATGGTCACTTGCCACCCTTCAAATTGGCTAGATTGTTTCGATCCAGAGACTTCATGGGATAAGGA  
TCAACTAGGAGATGTGTTGCATTGGATGAGACAGTCGGTTGCTCTTGTATGTGGGCTGCTTTGGGGCTCCATA  
CCTCTGGTTGGAGGAATTTGGTTCATCTTATTCTTGGTGATATCAACCACGATGATATATGGATATTATGCAAT  
GATATTGAAGGTAGATGAAGAAGAATTCGGTGGTCATGGAGTTCTCCTCCAGGAAGGGCTGTTTGCTTCCGTA  
ACTCTGTTTCTGCTTATGTGGACCCTCATTTATAGCTTGGGACACTTCTGACAATGGTTTTGTCAACGTTCTCGA  
AATCGGCCAAAGCATCGGTGGAGAGGTTGGTCGCCATTGTTGCTTGCTCTTTATTAGTGAATGTGCAGTACC  
TTACTGTAAAGGAGTGAAAACGCTTTTAGAAGTGGATTAATTTTATTAGGATTACAATTAACCAAAGTTTAGAA  
ATTATTTACTCTGTTAGATCCAATCCAATCCTAAATCAATAAAATCTTTACCGAAATGTCGTTTTTTTTTTCTACTA  
CATCCTTTCCGTTAACCTAAAACATTGCTCAATTGGTTTGGATATATGTCATTTGACATCAGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1544 XM\_002892615|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein,  
mRNA

TGGCATATTAGGACTTGGCTTTAAAGAGATCTCAGTTGGAGATGCAGTGCCTGTATGGTACAACATGGTTGAT  
CAAAACCTTGTGAAGGAACCTGTTTTCTTTTTGGTTTAATCGAAATGCAGATGAGGAACAAGGTGGTGAAA  
TTGTCTTTGGTGGTGTGGATCCTGATCACTACAAGGGGGAACATACATATGTTCCAGTTACTAAAAAGGGATA  
TTGGCAGTTTGATATGGGTGATGTCCTGATCAATGGCAGTACAACCTGGATTTTGTCTGGTGGTTGCTCAGCG  
ATTGCTGATTCAGGAACTTCGTTGTTGGCTGGTCCAACGACTATTATTACTCAAGTTAATCATGCCATTGGGGC  
CTCCGGGGTTGTAAGTGAGGAATGCAAGGCTGTCGTTGCAGAATATGGAGAAACCATCTAAAATGCTGTT  
AGCAAAGGATCAACCAAAGAAAAATCTGCTCTACGCTTGGCTTGTGTGCTTTTGATGGGGAACGAGGTGTAAG

TATGGGCATTGAGAGCGTTGTCGATAACACCACCCAGAAATCTTCAAATGGTTTACGTGATGTTATGTGCAAT  
GCATGCGAGATGGCAGTTGTATGGGCACAAAGCCAGCTGAAGGATGAGAAAACACAAGACCAGATTCTCAAT  
TATATAGATGGGCTCTGCGAGAAGTTGCCTAGTCCAATGGGAGAATCAGTAATTGATTGTGATTCTTATCTAC  
TTTGCTAATATTGCATTCACTATGTTGTGAAAGGTCTTTGAGCTCAAGCCCGAGCAGTACGTGCTCAAAGTTA  
CCGAGGGACCTGTAAGTGAATGCATCAGTGGATTGTCAGCTTTGGATGTTCCCCCTCCACGAGGACCCCTCTG  
GATCTTGGGGGATGTTTTCATGGGTTCTACCATACAGTATTTGATTATGGAACTCGAGAGTTGGGTTTGCT  
GAAGCTGCTTAAAATGCTTAAAATTTCAACTTGCTTTGTTTCATCAAGTTGGCCAACTCCACACTCTCTATTGT  
TGTTTNCAGCTGTTTATGTAAATATGTATCTATATTTAGCATCACTTTCTGTATACTAAAAA

>trans\_c\_1545 GU565706|Vitis pseudoreticulata WRKY transcription factor (WRKY2) mRNA,  
complete cds

TTCTTTCTCTCACCTAATCTATTCCTTTCTGTGTCCTAAGACGCAGACTCCGATAACTCGATTTCGGAATCGGC  
TTTGATTCCGACACTATAAAAGAAGTTTGCAACAGTTAGTGGTGAGGTTACTTCTTTTCGGGGAGGAGAATCG  
GCCATGACGGAGCCGAAAGCTTTGGAAGTGAACCACTCGGAAGTTCCAAGGCGGCTATTGAAGGGCAGGA  
AGATGATGAAGAAGAAATGGAAGATTCGGATGATGAACCGGAGTTGGAAGGAGAAGGAGGAGGAAGAGTG  
AGTGAGTTGAAGCCGACTGAGTTGAGAACTGGTCCGTCGGTTTGTAAGCTGTGGTGATGGGTTCACTTTCTG  
AAACCTAACGGTGGCTTTTGTAATCAGTCCTCTGAAAACGGTCGGTCTGATGGTTTGCCTGTCAATTCTTCT  
GCTCAGTCTGTGCAAGGAGCTGAATTGAAGCAAGCTCCATCTTCCACAGTGAGCCTTTGGCGGTTGAATCAA  
CCCAGACAGATAAGGTGCAAGAACAAAACCATCTTCAGTTGACAGTATTTAAAGGGCCTGATTCCGGAACAATC  
ACCAACTTCAGTTACCCAGTCTATCTCATCCTCTGCAAGTCCAAATTTATCTGAACATAAGCTGTCACCTAAGGT  
CCAGAAAGTATGTAAGCCAGAGCCAAACAGAAAAATTTCTTCAACCATAAACTCCATCATCTGTTCCCAATG  
CAAGGACACCTGCTTCTGATGGTTACAATTGGAGAAAATACGGTCAGAAGCAAGTGAAGAGTCCTAAGGGTT  
CACGTAGCTATTACAAGTGACATATTCTGAATGCTTTGCTAAGAAGATTGAATGTTGTGATGACTCAGGGCA  
AACAACAGAGATTGTTTACAAAAGTCAACATAGCCATGATCCACCTAGGAAGATTAGTATACCAAGGAAAGT  
AAGCTTGTGCCCTATGTTGAGCCTGTGGTTAAAAAATCATTGCTGAGCATTCCAGAAGAGTAATTAATGATTC  
AGATCCTCCACGTCTTCAAAGAACCGTTGCGAGAAACAGCTATAGTTGTCTTTGAAAGGAAACGA

>trans\_c\_1546 NM\_001055037|Oryza sativa Japonica Group Os02g0815400 (Os02g0815400)  
mRNA, complete cds

ACCAGATTCTCAACTCTCACTCCAATGGCTTCTTTACCTTCTTCAACCTCTCACTTTTCTGTCTTCCATTCTGC  
CCCTCTCTTTTCCAATATTCCAATCCAATCAGTTTCAGACCCTCCTTCCCGAAAAACCCCTTTCCACTGAAGAAA  
TCCCTCACTCTTTCTTTGCTCTCGCCGAATCTGACTCCCCAAGTCCTTACCGCCCGACCCCACTTCTCCTTC  
AAGAATTGGCCGACGTTTTGACCTTTCAAGAGATTACTTTGAGAAGCTTCCCGTGATCTTCGTCTTGATCTC  
AACGATGCTGCTTTTGATCTTTCTAATGGACCCGTCATTGACGAGTGTTGTTCAAGAGATGGGAGAAATATTGC  
TAAATCTCTCCCGAGCTTGGGAAGCCGCTGACACCTCCACTTCACATGCTTTAGTAAGCAAGTTCCTACGTTG  
GTGCAATCCTTGACAGACAATTACAAGTCAGGATTTGGCAAGCGTTTGATATCTGCTGGAAGAAGGTTCCAGT  
CGATGGGACAGTACGGTCAGGGTGAAGTACAGAAGATTGCAGAAGTAATGAATACAAGTGGAAAGCTTCTGT  
CTGCATCCTCTACTCTAAAGTAACTGAAGAGCCCCAGAACGAAACCACAATGTTTAACTTTGGAGAACTCAA  
GTTGAACTGACCGCTGATAAAGCGAACATTGGTGCACCAATTGGTTTTGTTTTCGGAGTAATTCATGGCAACT  
GAATCAAGGTGTCCAAAGTATTCTTGAGAGTTCTCTGCAGTATGCAAATGAAAATGCTTTACTTCTAGCCAAGT  
CTTTGAGAGGTGCTCTACTTGCTGTTTCGTACACATCGGCTGTATTGACTGCTTCACTACCGTGGGATTAATCT  
TACTTGCTAGACAAGTCAAATCAAAGGAAGAGTAAGCTTGTCTTAATTATTTTCTCAACTCTTGTAATGTGTT  
GTATTTAGTGAAGAACTAAGCTCCTTGCTGGGACTTTTACTAAAGAATTATATGAATCCATCTATGTTTCATGG  
CAATAATCTTGCTCAGTTTAACAAAAA

>trans\_c\_1547 NM\_119128|Arabidopsis thaliana CFIM-25 (CFIM-25) mRNA, complete cds

AGAGTGAGTGACGCCATTCCACTTCTTCGCTTCGTGTCCCTTCTCTCCATCCAACACGGCACCTTACTTCTTCTC  
ATACTTCTACTTCCACCTTACCTATATTCCCTTTTGATTCTCCTTCTGACCTTCTTTTCTCAGTCCCCGCCATGGG  
AGACGACGGGCGTCTGCATGCTATTGACGACGACGACGACGATGCTTCTTCCGCCCACCAACTCTCTTACATC  
GATATCTATCCTCTCAGCAACTACTACTTTGGATCCAAAGAGCCTCTTCTTTCAAGGACGAGACCTTGTCTGAT  
CGTATCCTCAGGATGAAATCCAATTATGCTGCTTACGGATTGAGGACTTGCGTCGAAGCAGTTATGCTGGTTG  
AACTATTCAAGCATCCTCATTTATTGCTGTTTCAAATACGTAATTCAATTTCAAGCTTCTGGTGGTCGCCTAA  
GGCCCAACGAATCAGATATTGATGGCTTGACACGAAAGTTGTGCAAGAAGCTTTGTGCCAATGGAGCCTCTG  
ATGCATCTGATTGGGAGGTTAACGAGTGCCTCGGTATGTGGTGGAGGCCTGACTTTGAGACCTTGCTCTTTCC  
GTATTTGTCCACTAATGTAAAAGGGGCGAAGGAGTGCCTAACTTTTCTGGTCAAGTTGCCGGAGAGTAAA  
AAATTTGTTGTGCCAAAGAACCTCAAGTTGATCGCAGTTCCTTTATGCCAAATTCACGAAAACCATAAGACATA  
TGGACCGGTTATATCAGGCATTCCGCAGCTTCTTTCTAAGTTCTCCTTCAACATCATCGGAACATAAGACTCAC  
ATCTTATTAATTAACAGATGAAGAACTATGGTTCGGAGAAAAAATATTTATTAGTGCATTATAGAGCTGTC  
AGCTAACTTTATATGAATGTTGACAGACCCTTGATAAAACATATTATAATCACACAAACATATATGTTGATGA  
TTTTGTAAGTATAGAGATATATATAGTAGTAATATAGGTCCACATTGTGACTTTACAACCTGTGTGTTAAATGA  
GTGCTAAAAACTACATATGATTGTGTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1548 NM\_123960|Arabidopsis thaliana carboxylesterase/ hydrolase/ hydrolase, acting on ester bonds (AT5G45920) mRNA, complete cds

ATCCTAAAGCTTTCATTTAAATTTGGATGCTTCTGAGCAAACAACCCATTTGAAAGATGAGACCAAAGATCTAT  
CTTTTTGGCGATTCCATTACAGAATTTTCTTCGCTGATGGCGGCTGGGGATCCGCTCTAACCAATCATTTCACT  
CGCAAGGCCGATGTGGTGGTTAGAGGATACAGTGGCTACAACACGAGATGGGCGCTTAAGGTCATTGAACG  
AGTCTTCCACCTTCAGAAGAACGCGAAGCTGCCTCACCGCTTGCCGTGACGGTGTTCTTTGGAGCTAATGAC  
GCTTGTCTTCCAGATAGATATGGCGCCTTCCAACATGTGCCCTTCATGAATACAAGCAAAACCTCATTTCAAT  
CGTCACCTTTCTCAAGAAGAAATGGCCTGCAACACGTATTTGCTTATCACTCCTCCTCTATTGATGAAGAAG  
GGCGTTTACAGAACCCTTACGTTCCAAATCCACTAAATGAGCCTGAGAGGACTAACGATGCTGCTGGTGCTTA  
TGCTAACGCTTGCAATTGCTGTTGCTAAAGAATGTGGGGTTTCTGTTATTGATATTTGGACTAAGATGCAGCAA  
GTTCTGGCTGGGAAAAGGCTTGTTAAGTGATGGACTGCACCTGACTCGAAATGGAAACACGATTGTGTTCCG  
AGGAAGTTGTTAAGAGGCTGGAAGAAGAAGGATTGAGTCCAGAAACGTTGCCTGCTGATCTTCCACTTTTTTC  
AGAAATGGACTCTACTAATCCACTGAAAGCTTTCGAAAAATTATGATAATGAGTTAACTGAACTGAGGATGC  
CATCGAGGAGCACTGCAACTTATTCACAACATTGAGATGTGAGAATGAAATTGAACTCCTCTACAAACGAT  
AATAATGCTTAATTACCGTTAAGAGTTGGATTTCATTCTTTCAAACCTGCTTTATTAGACATCTATGGGATTACG  
AGCATGCAGATTTGTCATTAAATAAATGGTCTTCTCCAATCATACAACCTACAATTGGATGGATAATTGGTAT  
GATATTAATAAATAGGAAACGGAGTTTTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1549 BT025542|Arabidopsis thaliana At5g51040 mRNA, complete cds

AGAAACGTGTTCCACCAACACCCTGACGCGTGGGAAGGGACGGGCTCACATCTTTTTATATTATTTTTTAATAT  
CATTAGAAAAATATAAAAAATAAATAAACCGTTCTCCACTCTTCACTTTCCTCTAGTTCTCTCCAATCTTCAACT  
TTCGGCTCCTCCCCTCCGATCAGAGGACGCCGGCGACCGCCGCTTACCCTCTCCCATCAGACGACACCGGCCGA  
CTGAAACTCCGATCTGACCAGCTGGGCTCTCCCTCCGTTTTGGTTACTTGCTGTCTCGGTACTATCATTTTGAA  
TGCAATGGCAACTTTTATAAGGGCTCTAAGCAAAGCTCATCAAGTTCTATACTTGAAAGCCTCCCCACCATT  
TTGAGAAGCAAATTGATGCCCTTTTTGCCTAGTGTTTTTATTGGGTTGGAGAATCTACAAAGCCAACTAACAAA  
TCGAAATCAGAATCACCATGGTTGTTCTTTAGTCTCCATTTCTCTCGACAAGTACAAATCCTGACATCGATCT  
CTCGAATGAGGATAGCAAGAGGCAATTATTCAATAGATTGCTGTACCGGAGCAAACAACGAGGGTTTTTGA

>trans\_c\_1550 NM\_121413|Arabidopsis thaliana ATNAP14; transporter (ATNAP14) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1551 HM245629|Glycine max AN1-like transcription factor (AN1) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1552 NM\_127686|Arabidopsis thaliana translocon-associated protein alpha (TRAP alpha) family protein (AT2G21160) mRNA, complete cds

ACCCTCCAAAATCGAAGCTTGGTCGCTCTCCTCTCTCTGTAATCCACACTTTCAACTCTCAATCTTCGCTCTCCCT  
TTGATTCCCCATTGTGCGCATGAACACTTTTCAGAGTTTTCTTCCTTGCCCTTCTTCTTCGCCTCTCCATTCTCA  
AAGCTGCCACATGTCAAGCGGATTGAGATGTGCAAGCATCTGAGGCCGTTGAAGAAGTTAGCGATCTTGAA  
TTGTAGGCGATGAAGATTCTCAGGATTTTGGAGAAGTGAACCTTGGCCCTGCTCCAGGAGTTGATACTGTCTG  
TGTTTTTCCAAAAAATAGTGACGCATAGTGCCAGCTGGTGAAGAGACTCAACTACTTGCTGGAGTGAAAAAT  
GATGGGGAATCAAGCTTGAATATTATAGCTATTAAGGCCAGCATTACACTTTTGATCATCGTATGTTGAT  
TCAAAATCTTACTGGACAGGTGTTCCACAATGCAACAGTGCCCCCATCAGCACAAAGCTTCTTACCCGTACATAT  
TTGCTGTCAGCAAGTATTTGCAGCCTGGAAATTTTGATCTAGTGGGCACCATCTTTTATGAAATTGACCAGAAT  
GCATACCAAAGCATCTTCTATAATGGTACTATTGAAGTTGTGCAAGCTAGTGGTATCATCAGCATGGAGTCTGT  
ATTTTTAGTTAGTCTTGGAATTGCCCTTCTGTTCTGCTCGTCTTGTGGATTCATGGTCAAATACAGCAAAAACT  
CTCCAAGAAACCAAGAGGGCTGCTTCCAAGGTTGAAGTTGGAACGAAGACCATTGATACTTCAATGGATGA  
ATGGCTTCAGGGAAGTCTTACACTAAGTCTGGATCTAACAAGTTGAAGAAAAAGAACTAATGAAGATTCATC  
TCCATCCCAGTTGCACAGTATACTGACAATGTGCAGATTCTAAAACCCACATTAGGCAGTTGAAGGTTTGAG  
GAGACAGTCCAAAGTTGACTAGTTTTGTAAGTTAGGTGCGGTGAACCCTTCCTTGCCACTGTAACATGTGCGAG  
GAATTTTTCTCATTCACTGTTTCTAAAGCCAATCTAAATTAAATTTGCAACAAA

>trans\_c\_1553 NM\_117160|Arabidopsis thaliana KELP; DNA binding / transcription coactivator/  
transcription regulator (KELP) mRNA, complete cds

AATGTAAAATAGAAAGATTGAGCTGAGCTCAGCCCAAAGCAAAAACTTTCCCTAAAATTTCAATTATCTTTCAAT  
TTTTCAGCTTAATTCACCTCTTCACTAGAAATCCACGGAGAAGTAATCCAAGAATTTGGCTATGGATTCCGAA  
ACCCAACGCAGAATCGAGGAAGCTGTCCGCAGAATTCTCGAACTTCCGACATGGACGAAATGACCGAGTCC  
AAAATTCGAGCCCTTGCTCTAAGGACCTCGATCTCGACCTCTCCAAATCCCCTTACAAGTCTCTCGTTCGCACC  
GTTGTGAATCATTTCTCCAAGAACGTTCTGAACAACAGCCTCAAGACCAAGCCGAGGATGCCTCTGCTGCTA  
AGGAGAAGGAGTACGACGACGACGGCGATCTCATTGTTTGTGGTTATCAAGCAAGAGGAAGGTGACGATTC  
AGGATTTTAGAGGGAAGACTCTGGTTTCGATTAGGGAGTTTTATAGAAAGGATGGAAAAGACCTCCCTACAG  
CTAAAGGAATAAGCTTGACTGAAGAACAAATGGTCTGTCTTTAAGAAGAATGTACCTGCCATAGAAAAAGCTAT  
TAAGAATATGCAATCACAAATAATGTGAAGTAAGCAATCACCTGATGGTTGATTGGTTTGAAGCCGTGATGCT  
ATGTATCTATGGAAGCCACGTTTATCACAATGAAAGAGGGAAGGGGTTTTAGTTTTGGAAGTCTACAGTTTT  
TTGGTTGCAGAAATTTTTGATATTTTGGTACTTCTGTTTTGAGCCTAGATCGCCGACAATCAAAAACTTCAGG  
CTACCTGTGTATTTTCATGGCATCAAGGTGGATAACTATGGTACATATTCTCGATCACCAGAGCTGATAATGGT  
GAATGATCTCTTATCTAATTGTTTTTTCTAAAAAACGCATGACATGAATTTAAATGTATGTGATCCGAGCCATG  
TCATTGAAGGTTGAATATCTTTGATATTTGATATTGAACTGATTCAATGTAGGAGACTGATGTTTGACTGTGAC  
TCTATAGACATATGTGGTAGGCATTAATTAGTCTTCAGAAGCTCTTTGTGAAAAAAAAA

>trans\_c\_1554 NM\_147882|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein  
(AT5G21990) mRNA, complete cds

ATACACAAACAGTTCTGTTTCAAACACCAGAAAGTTATTGACAATTCTAAGACTGCTGATACCTACAAGAAGA  
GTATAAACTCTGATAGTTTACAAGGATTGAGAGATGATCCAGAAGCTATCAGATCATTTAGAGATTTGTTTCA  
AATGCTGATCCCGATACTCTAGCTGCTATGAACTTTGGAAAATCTGGTGGTATATCTCCTGACATGGTTGCCAC  
TGCCTCAAATATGATCAGCAAAATGTCTCCAAGTGAGCTTCAAGAAATGCTTAAATTGGCTTCTTCTTTTCAAG  
AGGCGAATCCCCTCAACGCAGACGGTCTAGGCCCAAATCTGGACAGTGCAACATGACCCCGGAGATGCTCA  
GCTCGGCCAGTCGTATAATGAGTAGTATGCCACCTGAAGACCTACAAAGGATGTTGAAACTGCATCATCTTT  
GAAAAGGAACGAGTCTGCTTCTGGGAATGGCAATGTACCAGATTCTGATACGAGGTCAAGATCTTTTGAGAG  
TCAACAATCCAGTATGAGTGGAAGTAGAACACACGCAACACTAGTTCTTATGATGCATTGTCGAACCTACGG

AGCAGTTCGTCTAACTCAACTATTCCAACCTCTTCTACTGACATGCAAGAACAAATGAGAAATCAAATGAAAAA  
TCCAGCCATGCAGCAGATGTTACATCAATGATAAAGAACATGAGTCCAGAGATGATGGCAAATATGAGCGA  
ACAATTTGGTCTGAAGCTTTCTCCTGAGGATGCAGCAAAAGCTCAGGAAGCTATATCATCTTTCTCACCGGAG  
GATTTAGATAAAATGATGCGTTGGGCAGATAAAATCAAAGAGGTGTAGAAGGTGAAAAGAAAGCAAAGAA  
TTGGTTACTTGGACGTCTGGTATGATCTTAGCAATATGCATGCTGATATTAGCTGTAATTCTTCATTGGTTTGG  
AATAATAGGGGGTTGAGTAAGAGATTGCGCTTTACTACTCCTTAATTAATTTTTGTATAACACACTACTGACT  
CCCTCAACCCTCAACTCAGGATTATGAAAATTAACCATTTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1555 EU372997|Gossypium hirsutum gland development related protein 4-like mRNA,  
complete sequence

TCTCTCTCTCTCTCTCCCCCTCTTTTTCTCTCTCTACAACCAGGGAATTTACTCTCTCTGTCTCTGTTTCTTGT  
TTTGGATTGCTGTGATTAGACTGTGTTTTTCGTTTGTGTTTTGATTGATTTTCAAGCTGGCGATCGAAAATCA  
CGATACTACTGTTTCGTGAAATCAAGCCCAAGAGCAGAAGAATCATGGGTCCTGACGATGAAGACAATCGATG  
GCCGCCATGGCTAAAACCTCTACTAAGAGAAAGCTTCTCGTTCAATGCAAACATCACATCGATTCTCACAAAA  
GCGAATGCAATATGTACTGTTTAGATTGTATGAACGGCGCTCTCTGTTCTCTTGCCTCAACTTTCACAAAGAC  
CATCGTGCAATTCAGATTCGCAGGTCTTCTTACCATGATGTGATCAGAGTTCCGAGATTCAAAAAGTTCTGGA  
CATTTCTGGTGTCCAACTTACATTATCAACAGCGCTAGAGTCGTGTTCTTGAACGAAAGACCTCAGCCTCGGC  
CCGGCAAAGGCGTTACCAATACTTGTGAAGTTTGTGAACGCAGTCTCCTCGATTCTTCCGATTTTGCTCTCTT  
GGTTGCAAGATTGTCGGAACCTCAAGGAGTTCCAGAAGAAGAGAGTTGCAATGGCTGCATCCGACTCGGAG  
GATTCTTATAGCAGCAGTAGCAACCATAAACGAAGCAAGAGCAACAACAGCAACAACAATAGCAATAAAGTT  
CAAAGCTTTAGTCCATCGACACCGCCCCAACATCGGTCAATTACAGGACGGCGAAACGGAGGAAGGGGATA  
CCGCATCGAGCTCCAATGGGAGGTCTAGTTTTAGAATATTAGTACTTGCAATTTCACTTAATTATCACAAGGAA  
AACCCCCCTCCCCTTGAAAATGTAATGTAATTTCCACGTTGCTCCTTCCCTCCAATGCCTTGAGCTTTGTAAA  
AGAGGCCGGTGTGGAGGTCTACTTTTTAATTAGCTTTGTACATAGAAGAAGCATAGATGTGGGGTAAGGA  
AAACAATAATAAAAAATAATAGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1556 BT020579|Arabidopsis thaliana At4g24330 gene, complete cds

AGGATAATATGGTGGTGCCATGTAAGGATGAAATTAGCTTCGAAGTCTATATGAATGATGATGCGATGGATC  
ATATTATCTTTGCCGTGGCGAAGAAGAAAGCTGCCAAAGCAATGCAAAGGATTTGAGGGATTTGCAAAGAT  
TTGCCGGGATTTTGGCGCCACCCAGATGGGTTCTGAAGAGTTGAGCGTAATTTCTGAATCGAAGGAAGTCGC  
TGCAGATTTGATCACAGAGGCCGTTCTTGACCAGGTTTTTGGTGAAAAATCTTTTGAGAAATTTGGGAAGTAT  
TTCATCTCGATGCACTTCTCGGATCAGCATTAGGCATGCACAAGAAGATGCTGCTGTTCAAGTTTGCCTCCC  
AGATGCCAACACATGGCAGATATTTCTCGTCTAGTAGCCCTTGTCCTATTACATCGACACTGTTGGACGCT  
ACAAGCTCAGTTCACAGGCTCGCTCGAAAACCTGAAGCTGCCAGGTGCAAGGCTGCTCAAGAGGCATACAGAG  
AGCTTCAAAATGCAAGGCAAGAAGCGCTGCAGAAGAGGAAGGCAGAGAAGAAGAACTGATGGAAGAAGC  
TGAAGCCAAATTAAGTGCTGAGGCTCTTCGACGGAAAGAGGCGAAAGACCGCGCAAGCAGATGAAGAAAG  
CGATGCCAAAGATAAAGATGAGCCGCACTCGTTAAGGATTCGATTTTTTCCAATGCATTCAACCATGAGTCGC  
AAAGCAAACCTGCCTCTTCTTCATCTGGTTTTCTAATGTCGTTTAAGAGCTCAGCAAGGGTTCCTGGTTTCATCG  
CAAATTTTGACGATCAGGGTAGTGGACCGTGACTTTTAGATTGCATTACACTAGCTCGTCATCCATAATAAC  
AGTACTATAGAACTAGCTTTTGTTTTTTCGCTAAATTAATCCCTTTTTCTTTATTTTAGTTCTCTACCTGTGG  
TGGCCCTTTTAGTCATTGAGAACGATCTGGTTGCATAGGACTTTTACTGAAATGTATTGTTGAAGCTTACTCC  
AGTGATGAATTATAGACCTCTTTTGGAGACGATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1557 XM\_002865907|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family  
protein, mRNA

CAAACGTTTGATATTGCAGTCAGATTCATGAAGGCGAAGACTCCTGAACAAAGGGCCAGTGTTGATTTAGATA  
CCCCTATTCAAAGGAATATCTTGAAGAGTATGTTGGATTTGAAAAAGAAGAACATTATTATATCGGGAATA  
TGTTGAAGGTATATCAGCAACGGGAATGCAATCTAATGATGGTTTTGCGGGTCAAGTCAATGCATGCTGGAC  
GCATAAAGTGACAAGAAAAGACATTGAATGCCTTCAGTCTGCTGGATTTCTGGTATCAGTCATCCATGGCAGG  
CACGATGTTATTGCTCAGATGTACTATGCTAGAAGACTTGCCGAAAAGCTGTATCCTGTTGCTAGAATGGTAG  
ATCTCCATGGAGGTCATCTAGTCAGTCGAGAGAGAACCGAAGAGGTAAATCAAGCTCTTCTTGACTTAATCAG  
AGCCTCAGAAACAAAGATGAGTCCACATGATTGGACAACTTGCCAAAGAAAAGCTCATGGTGGATGGAGGA  
GAGAATGGCTTTTGTAACAATGAAGACTGAAGGAGGAAGCAGTATCTCCTCCAACCTTTCTTGTTAGAGAAA  
CTCCATCTTTCTTCTTGATTTCTTTGGTCTGATTCTTTGGTTTTCGGGTATCTCCGAAACACCATCAAAAGTT  
TGAAACCAACCCGAGTTGGAGCCTCCCTTACATGAACAAACATTCCAAAGACCCTAAATTTTACAGAGTCTTT  
CAATTTTGCTATGTGATGAGTAATGGTCCAATCGTCAAAGTGAAGTTGGGGGAATGAGTTCTTCTAATGTT  
GAGAACTTCTAAGTTCAACAAAAGAGAGGGAAATCAGCGTAAGGCCAATTGTTAAAAGCTGATACTTCCCTAT  
TGAGTAAATTGTAATATAACACATTGGAAGTGTAAATTATATATACCCTTTCTTTAAAAAAAAACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
CAAAAAAAAAAAGAAAGGACAGGAACCCAAATCGGAACAAAGAAAGACGCCCCCCCCGCC

>trans\_c\_1558 NM\_001069056|Oryza sativa Japonica Group Os08g0562600 (Os08g0562600)  
mRNA, complete cds

GACTATGTCCTCTCGCTACGAATTGGAAGTGAATTCAGTCCGCTAGAGATCTCAAGAACATCAACTGGAAG  
TACGGCACTCTCAAGCCCTACGCCGTTGTTTGGATCGATCCGCAGCAAAAATCGTCCACAAAGGTGACGCTG  
AAGGAGATACATCGCCGATTGGGATGAAACGCTCGTATTCCTTTCTCCTCATCGATCGAGGATTCTACGCTC  
CATATCGACGTCGTTACGTCGTCGGCGCTGATGAAGACACCAAGCCGTTGATTGGCTCCGCTCGACTTCCCCT  
TGCGGAGGTCGTCGACGATGTTGGACTTGCGGAAAGCTCTCAACGAAGTCTCAATTGAAACGGCCATCCGGT  
AGGCCGCAAGGGAAAATCGAAGTTAAAGTAACTGTCCGAGAACCACGTTACCGATCATCCGATTCTTATTACA  
CGCCACCGTATGGAGTCCCACCGCCAGGTATCGCTAGGGATTTCTCTGCTCCGCCGCCTCCTTATGGCGCTCCG  
TACTCTGCTCCTCCCAATCCTTACTATTTCGACGGCTCCGCCGTCCGGATACCCCTACGGGGGGTATGGTGCACC  
GGCGCCACCACCAGCAGCGGCTCCATACGGCCATTCAATTACGGGCAGCCATCGTACGGTCAGGGAAGTTA  
TGGGCAGCCAGCGTATGGCGGACAGACGTACTATGGGCAGCCGGAGGAGAAGAAGAAAAGCAAGTACGGG  
ATGGGGATGGGGACGGGGCTAGCGGTGGGTGCGGCTGCTGGAATTTAGGTGGATTGGCGATCGGAGAGG  
GCGTGGAGTATGTGGAGGACAAGATCGCTGAGGACGCAGCGGAGAGGGTTGAGGATGACCTTGGCTACGG  
CGATGAAGATTTTATAGAGGCGTGTCGGTTGGGTTCGTGCCTATTCAGTTCATGAGTTTCGGGTTGTCGTTTG  
GGCCAATGGAACATGAGCTCATATATTTGTAGTAGGCTATTGTTTGTGGGGTCAGTGTGGGATTAGGCCCA  
CTTGTTTTCGCCTAGAATAATTTCAAATCACAAAAATATGTATTTATTTTAATAATAACAATTG

>trans\_c\_1559 DQ023523|Gossypium hirsutum cultivar CIM707 Fb27 mRNA, complete cds

AGAATTGGGAAGTGGGAACGACATCTTTCCCAATTTCAACAATTGAGGAACTAACCAATTTTGATGGTAATTG  
ATGAAAGTTGAGATATAATATATATTTTTTCATCACATCACTTAGATCCAAATCCAATTCACAAAAATTCTCCC  
ACTTTCCCCTCCGGGATTAACCCATTTTCTTCTCGATTCCGGCGATGGCCACGATCCCCCTCTTCTCCTCCTCC  
GATACTCCGACAGTCTCACTGTCTCGGAATCTCCGTCTGCACCGCCGTCAATTCGGAAGCCATCTCATGGGTT  
CTAATCTATCGCACCAACTCTACAAAACCTTCGATCCTCCATCGACAAGGCCGCAAAAAGCTCGAGACCAT  
GAAGACTGACAGCTCTAAAATCACTGTAAAGAAATCCAAACCAAGAAGATCGATCGCATCGAGACCAGTCTC  
AAGGAATCCAGCCGTGATCTCTCGCTCTCAAGTTTAAATCCGGCGCCGTTGTTGCCCTTGTTCTGTTCTGTCGTC  
TTTGGATTGCTCAATTCGCTCTTCAAGGCAAGGTTGTTGCCAAATTGCCGTTTAAAGCCTTTTGGGCTTGTGAT  
GAAGATGAGTCACCGAGGGTTACAGGGTGAGGATCTACCGATTGCGCTATGGCGTCTTGTACTTCTCTGT



TCTATTAGCATTAGGACCAATCTGCAGAAGTTCTTGGGATTCTCTCCGCCGAGAGGCGCCGGAGCTGGGTTGT  
TCCCGATGCCAGATCCTAAGACGAACTGATTTAGGTCAGGCTTGGATCAAATTAGTACTCTCTTTTCCCCCAC  
CTTCATTATGAATGAATTTTCGTA CTGATGAAAAC TTGGTTTGGGCTGATTAGGCTTACTTTTATTAGGGGTCT  
ATATGTTTCATTTTATAGTGAGTTCATCGGACTTAGTATAGCTATGGGTTCCACAAATTTGAGAGGGTCATTCTG  
GTTCAAATCTCTACTTGCATTCTTGATTAGATTGGAAATAATACTATCTTTTTTGGGATCAATATAAGCTTTTG  
ATCTTTGAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1560 NM\_125927|Arabidopsis thaliana LMBR1 integral membrane family protein  
(AT5G65290) mRNA, complete cds

TGATTGTGAATTGTTTCGTTTCGGGCATTTGCATCGCCTTTCCCCCGTCTTCTCCCTTCCGTTTCAATTCACAAAGC  
TCATCGAGGAGGGGAGCAATTTTCACGACGGAACATGTGGGCTTCTATCTGATCTCCTTGCCTTTAACTTTA  
GGCATGGTGATCGTCACGCTCAAGTACTTCGCTGGTCCTTGGGTGCCTCGTTACGTTTTTCTTACCGTCGGATA  
TACCTGGTTCTGTTCCCTCTCCATCATTATCCTCGTCCCTGCGGACATCTGGACGACTACAAGTCATCTGTCTGA  
GACTGGAGTAATTTCTTTCTTTGGAGCTGGTCCTATTGGAGTACATTCTTACTTACCTGGGCTGTGGTCCCAT  
TATCCAGGGTTTTGAAGATGCAGGAGACTTCACTGTGAAAGAAAGACTGAAGACCAGCATCCATGTAACTTG  
GTTTTTATTGTTGTTGGATCCATAGGTCTTTTGGACTGATTCTCCTCATTGCGATGCACAAAATTTGGCAT  
GGCGGTGTTCTGGGTTTTGCTATGGACTGCTCAAATACATTTGGATTGGCAACAGGTGCATTTCTTCTTGCTT  
TGGTCTGAATGAAATTACCAAGAGTATTTGGAGAAATGCCGATTGGACTACACACCAAAAAAGTTCTTTCCCAT  
CAAATATCGAAGATGGCTGTAAAGCTTGATGATGCTCATCAAGAACTCTCAAATGCTATTGTTGTTGCTCAAGC  
AACATCTAAGCAGATGTCTAAACGCGATCCCCTGAGACCTTACATGAATATCATTGACAATATGTTAACTCAAA  
TGTTTAGGGAAGATCCATCATTCAAACCACAAGGTGGACGATTAGGAGAAAATGATATGGACTACGATACCG  
ATGAGAAATCAATGGCAACACTTAGGCGTCATCTTCGCAGAGCAAGAGAGGAATATTATCGGTATAAAAGCC  
AATACATGACCTACGTTATGAAGGCCCTTGAGCTTGAAGACACTGTAAAGAATTATGAACGGCGCTCGTCAAC  
TGGATAGAAATATGTTTCAACCCTCANGCATCCTCGAAGTGGGAAGTTGGGG

>trans\_c\_1561 NM\_120301|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT5G02230) mRNA, complete cds

CCCCACTCGCTCCATTCTTCATTGTTTCTTAAGAAGAACAACAACCTTTCTTTCTTTGCCCTCTCTCTGTAATAC  
CCTTCTTCTCTCGTTCTCTCATTGTCTTTTTTGTCTTGTCTTTTCGTTCCCAGTTGGATTCTAAATCAAAATG  
GAATACGAGAACCGGTT CAGGCAGGCTCAGAGACCAAAATATGATTGTCTTCTTTTGATTTAGATGACACTCT  
GTATCCCTTGAGTTCTGGCATTGCAGCTTCATGTCTTCAGAATATTAAGATTACATGGTTGAAAACTGGGGA  
TAGAGCAGAGTAAATCCCTGACCTGTGCAATTTACTGTACAAGAACTATGGAACAACCATGGCAGGTCTCAG  
GGCAATTGGCTACAATTTTGATTATGATGAGTACCACAAATTTGTCCATGGAAGACTTCCTTACGATAATCTAA  
AGCCTGATCCTGTTCTAAGGAATCTTCTGTTGAACCTGCCTTATAGGAAAGTTATCTTTACAAATGCTGACAAG  
ATCCATGCAGTTAAAGTTCTTAAAAA ACTTGGATTAGAAGACTGTTTTCAAGGCATTATCTGCTTTGAAACCT  
GAATCCAACCAACAAGAACTTTGTTGATGAAATGAATCCAATCCCATCTGACTCAGAAATTTTGGACATCATTG  
GCCACTTTCTTCATCCCAATCCTGGGACGGAATTACCAAAA ACTCCCATCATTTGCAAACCATCAGAGGCTGCC  
ATTGAAAGAGCTCTCAA AATTGCAGGCCTCAACCCTCAGAGAACTCTGTTCTTTGAAGATAGTGTTCGAAACAT  
ACAAGCTGGGAAACGTGTTGGGCTCGACACCGTCTTGATTGGCACTTCACAGAGAGTTAAAGGAGCAGATTA  
TGCCTTGGAAGCATCCACAATCTAAGGGAAGGAATACCTGAGCTTTGGAATGTTGAAATCAAATCAGAAAT  
GGGTTATGCTGGGAAAGTTGGAGTTGAACTTCAGTGACAGCTTAGAACTATAACATCCTTGTTAGGTTCTTC  
AAATCCTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1562 AJ012654|Prunus persica mRNA for ribosomal protein S28 (rps28.2)

GCGCCGTGTCTACAAATTCTACAGAGTTCTCCCCGGGCTCATTTTCTCTCCCCGTTTAAGGTTAGTATCGACGT  
GCTTCTTCGATCCATGGATTCATGGTGATTTCTTTGTTCTTGTCTGTTCTTATCCATAGCATTGGCAGCACT  
TCCTTTTGCATTCTCTGCGACAAAGCTGACAGATGATTGCATTTATTTTTCAGTTTTGTTTTTGTTCCTTCG  
GTGGTTAGTGTTCTTGTATTTAGATTTTGTTCACGATTGAACCTTACGGAAGAAAATTTCTGAGTGATTAT  
TACATGGAGAACTCTGTTTCATGATAGACAGATGATTATTGAGATTGAGATTCTAGATTTCGAGATATTTTTT  
ATTTTGCAGTTTTTGTATTGTTTATTAGTTGGAAACCTTGAGATGTTATGCAGACATTGTCGTTCTCCCTCTCTC  
ACTTGGTTCAAAATATTGAAGTAATTAGAATTGTAACCTCGTATATGCTTTCTGAAAGTTGGTTTCTTAAACACAT  
CTATAGTTTCATAGAATATTCTGCTCTGATATACATAAGGTCTTCTGTTTCCCACTAGTTGTCCTTGAACCTAATA  
TTATGTTGTTGCAACTATGTTGTTGCAATTATGTTGTTCAAAGATTCTTGGATTGTATAAGGTTTAAGTTATTGG  
TGGGTCGTTTGAGGAATGGAATCCCAAATCAAGCATGCTGTTGTGGTCAAAGTAATGGGTAGAACTGGATCT  
AGAGGGCAAGTGACTCAAGTGAGAGTTAAGTTTCTTGATGATCAAAATCGTTACATTATGAGGAATGTCAAG  
GGACCAGTGAGGGAAGGTGACATTCTTACCCTGTTGGAGTCTGAGAGGGAAGCTAGAAGATTGCGTTAGATC  
AAACCCACACTTCACCAATTTGCAGTTGCTGAATTTTATGTTTTAACTTCAAATAGAATTGCTCTTATCATTTTT  
TCCTCCTTATGTGTGGTTTTAGTGACATTTTGGTTCTAAGCCAGAATACGAGTACTTTAATTGAGTTTTGAAAC  
CATTTATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1563 DQ924970|Capsicum annuum ubiquitin-conjugating enzyme (E2) mRNA, complete  
cds

AAGGGATCCGAATTTGGTCCTGCACAGAGCGTACGACGATAATTTTTCACAGAGAGAAAGAAAAGAGAGAGA  
GTTTTGATTCTGAATCAATCAACCCCATCTCCCTCTTCTTCTCTCTTCATTTCCGTCTTCATCCTTTCAAGAATT  
TGTTTCTAAATCCTTCAAATCCACCAAGTTCCGCACTCTGTAGGAACGATGATTAAGCTTTTTAAAGTAAAGG  
AAAAACAGAGAGAGATTGCAGCTAATGCCAATGGAGTACCTCCTGTCAAGAAGCAAAGTCTGGAGAATTGC  
GTCTTCAAAAAGATATCAGTGAATTGAACCTACCAAAACGTGTAGTATATCATTTCTAATGGCAAGGATGA  
CTTGATGAACCTTTGAGGTCACTATTATCCTGACGAAGGATATTATCTAGGTGGTACGTTTCTCTTCTCTTTCCA  
AGTTTCCCCTGTCTACCCTCACGAGCCACCAAAAGTGAAGTGCAAGACCAAGGTGTATCATCCTAATATTGACT  
TGGAAGGAAATGTTTGTCTCAATATTTTAAAGAGAGGACTGGAAGCCCGTTCTGAATATCAACACTATAATATA  
TGGATTGTTTCATCTTTTACGCAACCAATCATGAAGACCCCTCAACCACGATGCTGCGGCTGTTTTAAGAG  
ATAACCCAAAGATGTTGCAATTCAACGTGAGAAGAGCCATGGCTGGGGGTTATGTGGGACAACTTACTTCA  
CACGTTGCATGTAAGATTCTACATGAATTGTAAAGCAACATATACATTATTTGAAGCATGGGCTCTGCAAGGTC  
GTTGAACCTTCTCTGGTAAGTTAATGTCTAGTGTGTTGAGGACTGTCTGATCACCGACGCAACACAAAGTCCTT  
GTGATGGAGGTAGAAGTTTGTGTGTGTTGAAGTATTGGTTTCAAATGGACGTTGGGACTGGTAACTGAAAC  
TCTTATCTGTGTATGTATTTTCTCTAATCTATCTTGAAAAGACAGGTCGCTCTTTTGCTATCAGTTGAAAGTAC  
AAGGTATGTTTTTGTAGCCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1564 AJ515028|Cicer arietinum mRNA for ribosomal protein S3a (rs3a gene)

CTCTCAAACCTTCTCTGCCTTGACGATTTTCATCTGCGGAGTTAGGGCAACTCTCCTCCTCCGCCATGGCCGTC  
GGCAAGAACAAGCGGATTTCAAAGGGAAAGAAGGGTGGAAGAAGAAAGCCACCGATCCATTTGCCAAGAA  
GGATTGGTATGATATCAAGGCTCCTTCAGTTTTCACTGTTAAGAATGTCGGAAAGACTCTTGTTACTCGCACCC  
AGGGTACCAAGATTGCATCTGAAGGACTCAAACATAGAGTCTTCGAGATCTCGTTGGCTGATCTTCAGGAAGA  
CGAAGAGCACGCATACAGAAAGATTGATTGAGAGCAGAAGATGTTCAAGGGAGGAATGTACTGACAAATTT  
CTGGGGAATGAACTTCACTACCGACAAATTGAGGTCTTTAGTACGCAAGTGGCATACTTTGATTGAAGCTCAC  
GTAGATGTCAAACACAGACAACTACACCTCAGAATGTTTTGCATTGGATTTACCAAGAGAAGGCCAAACC  
AAGTGAAAAGGACCTGTTATGCTCAGTCGAGCCAGATCAGGCAGATCCGCCGTAAGATGAGAGAAATCATGG  
TAAACCAAGCATCCTCCTGCGATTTGAAGGAATTGGTTCGCAAGTTCATTCCCAGTCAATTGGCAAGGAGAT

TGAAAAGGCAACATCCAGTATCTACCCTCTTCAAATGTGTTTATCCGCAAAGTTAAATTTTGAAAGCACCCA  
AATTTGATCTTGGGAAGTTGATGGAGGTTACGGCGACTACTCAGAAGATGTAGGCGTGAAGGTTGAGAGAC  
CTGCTGACGAACTGCTGTAGAAGGGGCTACTGAAGTTGTTGGAGCTTGAGTTCTTCAGTTATGTTGAAGTTC  
ATTTGAGTTGGATTAATCTGTTTTTGTAAATTTGGCCCCCTTTGTTAATCAAACCTATTAGTTTTAACCTG  
CCTCTCAGTTTAATCAGAGAGTTGGTTTTGAGGATGGCAATTTGTGCTATTAGTCAAAGAATACTTTCATTTTA  
TTAATTTAGCAAATTGCACCGTTTTTTTCCCCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1565 AY856353|Vitis vinifera 9,10[9',10']carotenoid cleavage dioxygenase (CCD1) mRNA,  
complete cds

TCCCCGGACGGTCCTTGGTGGAGGTCTCTCCAAACCCAGTAAAGGCCTTGATCCAAGGCCACCGATTTGTT  
GGAGAAGCTCTTTGTCAAGCTTATGTATGATTCTTCTAAGCCTCAGCACTATCTTCCGGTAATTTTGCTCCGGT  
TCATGATGAGACTCCTCCGATTACTGATCTCCCTGTTAAAGGTTATCTCCGGAATGCTTAAATGGAGAGTTTG  
TTAGGGTGGGACCAAATCCGAAGTTTAGCCCAGTTGCTGGCTACCACTGGTTTGATGGAGATGGCATGATCCA  
TGGATTGCGCATTAAAGATGGAAAAGCATCATATGTTCCCGTTATGTGCGGACATCAAGACTTAAACAAGAA  
GAATATTTTGGAGCTGCTAAATTCATGAAGATTGGTGATCTGAAAGGGTTCTTTGGGTAAATAATGGTTAACA  
TGCAATGCTGAGAGCAAAGTTAAAAGTGTGGATGTTTCGTATGGAAGTGGGACAGGTAACACGGCTCTCA  
TATATCACCATGGAAAGCTGCTAGCACTTTCGGAGGGAGATAAACCTTATGTTATAAAAGTGTGGAGGATGG  
AGATCTGCAGACGCTTGGTCTGCTGGATTATGACAAGAGATTGACACACACCTTCACTGCTCATCCAAAGGTT  
GATCCAGTCACTGGCGAAATGTTTACATTTGGTTATTCTCATTACCGCCATATGTTACCTACAGAGTTATTTCC  
AAGGACGGTCTCATGCATGACCCAGTACCAATCACGATTCCAGCTCCTGTCATGATGCATGACTTTGCAATTAC  
AGAAAATGCAATTTTATGGATCTTCTTTATATTTTAAACCAAGGAAATGGTGAAAGAAAATAAGTTAA  
TTTTACATTTGATGCTACAAAAAAGCTAGGTTTGGTGTGCTACCAAGATATGCAAGATGACTTGCTTATCCA  
ATGGTTTGAGCTTCCAAATTGTTTCATATTTCCATAATGCTAATGCTTGGGAGGAAGGAGATGAACTAGTTTG  
ATTACTTGCCGTCTTTGAGAATCCCGACTTGGACATGGTCAGTGGGCCTGTAA

>trans\_c\_1566 AB331958|Glycine max mRNA for peroxisomal enoyl-CoA hydratase/isomerase  
family protein, complete cds

ACCTTTCTCATTTTCAATGCGGGAACCTTTTTAATTCAATTTTCATTACCCAATTTTCATCATTTCTTCGCCGAA  
TGGATCGTTCTTCGCCGAAATCTCATCCTCGTCAACAGAGAATCAAATGGGATCGCATTTCATTACAATCAAC  
CGCCCCAAGTCGTTGAATTCGTTAACGAGACCGATGATGATAGATTTGGCTCGGGCGTTTAAAGCTTAGACC  
GCGACGATTCCGTCCGGGTCATCATCCTCTCTGGATCAGGACGAGCCTTTTGCTCCGGTGTAGATCTAACTGC  
GGCGGAGGATGTTTTCAAAGGAGATGTGAAGGATGTTGAATCCGATCCGGTTGCGCAAATGGAACTTTGCCG  
GAAGCCGATCATCGGAGCGATTGCAGTTTTGCTATCACCGCTGGATTTGAGATCGCTTTGGCTTGACATA  
CTCATCGCTGCCAAAGGAGCCAAGTTCATCGACACTCATGCTAGATTTGGGATATTTCTTCATGGGGATTATC  
TCAGAAAGTTAGGAAGGATAATTGGAGTCAACAAAGCTCGTGAAGTATCGTTAACGGCGATGCCTCTAACAGC  
AGAGGAAGCAGAGAAAAGGGGATTGGTGAATCAGGTGGTTGAAGGAAGTGAATTGTTGAAGAAAGCTCGA  
GAGGTTGCGGAGGCAATTTTGAAGAACAATCAGGATTTGGTACTGAGATACAAGTCAGTCATTAACGATGGC  
TTGAAGCTTGATCTTGCCAAGCTCTTGCAATTGAAAAGGAGAGAGCCCATGCATATTACAATGGAATGACAA  
AAGAACAATTCAGAAAATGCAAGAATTCATAGCTGGTCGGAGCTCCAAGAGACCTTCCAAGTTATAATTAAT  
TTGTCTAAGCCCCTTTCTCTTTTCAATAATAACGAATACAAACCCCTCATCTTTTTTTAGCTGTTTCCATATTCTA  
AATAAGAATTTTCATCTTCATCTTCATAGCGTGATACGACTCACTTCATAAGTAATCTTATCTATAGTTTCATAAA  
ATAAAGGAAGAATGTATTTTAATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1567 NM\_001057074|Oryza sativa Japonica Group Os03g0577000 (Os03g0577000)  
mRNA, complete cds

ACAGAGGCTTCCCTTCCCACATCTTAGATCTTTTTTGAGCGGCTTCATTGCTCTCTTCCAGCCTCTCTTTGAATA  
TGGCGACCCAGATGAGTAAGAAGAGAAAGTTCGTAGCCGATGGAGTGTTTTTGCCGAGCTAAACGAGGTTT  
TGACCCGAGAGTTGGCAGAGGATGGGTACTCCGGTGTCGAGGTTAGAGTCACTCCTATGCGCACTGAGATCA  
TCATCCGAGCCACCCGCACCCAAAACGTTCTCGGTGAAAAAGGTAGGAGGATTAGGGAGCTAACCTCTGTTGT  
GCAGAAGCGGTTCAAGTTTCCGGAGAACAGTGTTGAGCTTTATGCCGAGAAAAGTTAACAATAGAGGGCTTTG  
TGCCATTGCCAAGCCGAGTCACTTCGTTATAAGCTACTTGGTGGCCTTGCTGTTCTAGGGCATGCTATGGTG  
TTCTGAGATTCGTCATGGAAAGTGGAGCGAAGGGTGTGAGGTGATTGTTAGTGGAATACTCAGGGCACAGC  
GTGCAAAATCTATGAAGTTCAAAGATGGATATATGATCTCTTCGGGTCAACCAGTCAGAGATTATATTGACTC  
GGCTGTTAGACATGTTCTTCTCAGACAGGGAGTTCTTGGTATTAAAGTTAAGATCATGCTTGATTGGGATCCTA  
AGGGCAAGCAAGGCCCTACCACCCCTCTTCTGATGTCGTCACAATCCACTCTCCAAGGAGGAAGAAGAAAT  
CGTCCATAGACCACCAGCAGTTTTGACCGCTGATATTGAGGTTCCAGTAGCAGTACCACCAGTACCAGTAGCT  
TGAGAGGGCTCTATTCTAGATATTAATGTATGGAATCAATCATCGTCCATTTTGTACTTTCTTTCCAAAGATTT  
CGTTATGTCTCAGTGATCTGTTGGTTTGGGCCTCCCGACTGCAGAGCGTTCTTTTTGATAATCGAACAAAATGC  
ATATGGAGAACAGTCTTTTTGAGATATTAATTTTCAATTTTTGCCTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1568 NM\_001188221|Oryza sativa Japonica Group Os07g0299600 (Os07g0299600)  
mRNA, complete cds

GAACACAGCTATGTACAATTGTTGCATTGACAAAATGTGATTTTGATCCACTTATGAAATAATTATAAGTTTCA  
TAAGATATTTTTCGAACAAAATTTCAGATAGTGTAATTATGCACATTTTAAATTGATACAAACCCCTTTTGAAT  
TTCTAGTGTCGTGAAATTGAGAATTACTAATGGTTGTTTACTTGTTTCATATGATGGGCCATTGTTAGGAGGGAA  
AGTAGGAGGAGTTCATTACGGCAGAGCCATTAATACAGAAGGAGAGGGTTCGATTTTGAATTTCAACCCA  
AAAAGAAGATCAAACACACGGCTTCTGATGAATGTTCCAAGCCATCAACTGCACGCAATTTGATCTCCTTCTGG  
CTCCTCCGTAATTTAGCAATGGCAGACAACGATTGAGGTGACGGTGAAGTATCTTCAGCCCAAGCAGTTCTTCT  
CGGAGCTTTAGCTCCTGGGGTCAACGGTCCTACATGGACTACACTCAAGTCGGCGTTTTTGATGCTGGGACTG  
TGTCTTGTCCTGATGCTTGCCCTTGCACTTCTTCCAGTGATTCTTGTTGATTCTTCACGTTACCTTTCTTGTTG  
TTATTACTTCTACCTTTTTCTTGCTACTTAACTGGTTTCTTCTCAGACTGGCCTGGTTTCAGTGAAGAATCAAAT  
GGAAGAAGTGCAGTTGGCGCCAAAGAGTCGAGATAAAAGCGAAAAGAACGAATAATGGTTACTACTGCTATA  
GCATTATAAACCAAGACGGTAAAATTGGATGATAGTAACAGAACTACATTACATCCTCGAGTAGAAACACGA  
GGTGATAAGCTTTATAATCAATCAGGTACAACAGCATCTTCCCTTATTCGAAGAGGGGAGAAAAAGAACTT  
AATTTCAGAAGAACAATTGGAATGGTAACTTCATTCTTTGATTGCTCCTCCTTGCTTTCCCTTTTTCTGC  
TTAATGTAACAGAAGCAGGAACAGCATGGTAACTGTAAAAGAACTTCATGTCTTCTTTGTTTGATGCGAGAG  
TTAGAAGAGCAAAGAGTTATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1569 NM\_001072856|Oryza sativa Japonica Group Os12g0183100 (Os12g0183100)  
mRNA, complete cds

CTATCTTCTACGAAGCGCAAAGGCAAGGAAGAATTCCTTTTATGTGACCTCTCTTGGAGAAGAAGCAATCAA  
CGTTGCTTCTGCAGCAGCACTGTCATTGGATGACCTCATTGTTCCACAGTACAGGGAGGCAGGAGTACTTATA  
TGGCGTGGCTTCACTCTGAAAGAATTTGCAAGCCAGTGCTTTGGAAACAAATATGATTATTGTAAAGGGAGGC  
AGATGCCTGTCCATTATGGGTCTAAGCGACACAATTACTTCACTGTAGCTTCAACAATTGCTTCTCAAATTCCTC  
ATGCTGTTGGCGCTGCATATTCAATGAAGATGGATAAGAAAGATGCTTGTGCAGTCGCTATTTTGGCGATGG  
AGGAACAAGTGAGGGAGATTTCCACGCAGCTTTAAATTTGCCGCAGTTTTGGAGGCACCTGTTATCTTTATTT  
GCCGGAACAATGGATGGGCGATCAGTACTCCTGTTTCAGACCAGTTTCGAAGTGATGGGGTGGTTGTTAAAG  
GCCAGGCTTATGGAGTTCGCAGTATCCGTGTAGATGGCAATGATGCACTTGCTGTATATAATGCAGTTCGAGC

TGCTCGAGAAATGGCTATTCAAGAACAGAGGCCAATTTTAATTGAGGCTCTCACATATAGAGCTGGACACCAC  
ACGACATCGGATGATTTCGACCAGGTATCGTCCAGCTGAGGAAATGGAATGGTGGAGAGTTGCAATGGACCCT  
GTCTCTAGATTTAGGAAATGGATTGAAAGCAATGGTTGGTGGAGTAATAAGGCTGAAACAGAGCTTAGAAGT  
AGCCTAAGAAAACAGCTATTAGAGGAGATCCAGTTGGCAGAGAGATATGAGAAGCCCCCTGTGGCAGATGCT  
TTCACAGATGTGTATGATGTACCTCCTTCCAACCTCCAAGAGCAAGAGAAGTGGTTAAGAAAAACAATCAAAA  
CACACCCACAAGATTATCCATCTAATTTCTCTGTAGTTTGTATTGGGTTTTGAAACACTCTGCCTTATAGAA  
ATATGAGAATGGTGATGACATTGTTTATGAATAAAGGCCATAAGGCATATTGATCTAAAA

>trans\_c\_1570 NM\_001065929|Oryza sativa Japonica Group Os07g0290800 (Os07g0290800)  
mRNA, complete cds

TGAACAAAATCAAATTAATCCTGCCTTACGACCGGGGGATATACAGTTGCTGTTTTGAAGAAATTATAAAG  
GGAATGAAGGATAATTCCAATTCAACATGGGATGATATAGTCTTCATTCTCCCGGATTGATGTTTCAACTGA  
CCCCAAAAACAGCAATAGGCATTGAGAATAGGACTTGAGATAGTAGCAGTCAAATTTGTCTTATCATACAAA  
AAGCTCATAGAGAAACAGGGTATTTATATCAATTCAGGTTTGAATGGTTGGAAGGAGAAGATCTTTAATCATA  
TTTGTGTTAGAGGAGTAATCCTACCGAACTCCAGACCTGATTTGTTGGGATGCCTTTGGGGTTTTGTAGTGTGC  
GTCTGTATGTTCTAATCACAACAAATGTTATAGAATCGTGCGTCTTTCTTTGTTGCTTGTAGTGTATGGAATGT  
CTAGATGAGTAAAAAATATTTATCCTTTGAGCTTTTATATTATGAACCCAAAATAGATGACTAAACCCAAAAT  
TCTTGAATCACTTTTCTTTATTGTAAAGAAATAGTGAGAATGTTTTCTTTATCTACCCTGCGTTCGCACAATAG  
TCATTGGTGCAAGTGAIAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCC  
CCCCCAAAAATTTATCAAAACCCCCAACCCGGGGGGGGGCCCGACCCCAATTCCCCCTAAAGGGGGGCC  
AAAATACCCGCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAAACCCCGGGAGGGGAAAAACCCGGGGGTTCCCCAATTTAAT  
CCCCTTGGAIAAAACCCCCCTTTCCCCGGGGGGGGGAAAAACAAAAGGGCCCCCCCCCAATCCCCCTTCCCAAA  
ATTTGCCCCCCCCGAAAGGGGAAAGGGAACCCCCCGGAAGGGGCCCATTAACCGCGGGGGGGGGGGGGGGT  
TACCCCAGGGGGACCTTACCTTTGCCGGCGCCCAAGCCCCCCCCCTTTTCGTTTTTTTCC

>trans\_c\_1571 AY106899|Zea mays PCO110557 mRNA sequence

AGACCTCCAAAGGTTCCATTTCTCCAAAAGGCTACTCCCAATGGCCAGAGATATCCTTCCCTTCGAATTCGGG  
GGCGGCGGCGGGGGCGAGAGCGAGCGCGGCGGAGACGTTTTCTTCGTAAGGATGATATGAAAGAGTACG  
CATGGGATGGAGTTTACACCGAAGAAACAGTCCGATTATCGAAACAGAATCCGCCAAGAAAGCTCTGAGAA  
AGAGAAGCAGAAGAAAGCTAGAACCATTCAATTGCTTTGAGTTCTTGAGAATCGTTTGCTCTTCAAATTCTAA  
CTCTCTTCATTCTCTTTAATTTTCTCTTTGTAGATCGAATGAAATGTTTCATATCCATTTAATGATCTTCGATCC  
TTTTTCTTGCTTCGCTCGATCTCGATGCTCATTATCGGAATTTCTGAGCCAGGATTTTGTAAATTAGAAATT  
GTGATTTCTGTATATACTTCTATTGTTTAGAAAGCTTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCGGAAAAATTTAAAAACCCCCCAACCCGGGGGGGG  
GGCCCGCCCCCATCCCCCAAAAGGAGGGCAAATAACCCGGGCCCCCGGGGGGCTTTTTAAAAACCTGG  
GGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCCAATTAAACCCCTTGGGAAAAACCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAA  
AAAAAAAGGCCCCACCCAAACCGCCTCCCCAAATTTCCCCCCCCTAAAGGGAAAAGGGGACCCCCCTTGA  
GGCCCCATAAAAGGGGGGGGGGGGGGGGGGTTTCCCCCAAGGGGCCCTATTTTGCCGCCCCCTAGCCC  
CCGTTCTTTTTTTTTTCCCTTTCTTTTCCCCAGTTTCCGGGGTTTCCCCCAAAATTTAAAAAGGGGGGCC  
CCCTTTGGGGTCCCAAATTTGTTTTTCAGGCCCCGACCCCCAAAAATTTGTAAGGGGGG

>trans\_c\_1572 XM\_002325589|Populus trichocarpa ABC transporter family of the mitochondria  
family, mRNA

ATAACATTCATTATGGTCGTCTTTCTCAGCTACCGAGGAGGAGGTTTATGATGCAGCTCAACGTGCTGCAATTCAC  
GATACTATCATGAACTTTCTGAAAAGTATTCTACAGTTGTAGGTGAAAGGGGGCTTAAGGTGAGATATTATT  
AGTGTTGACAAAAACAAAGTGTGTTGTATTGTTTTATTTTGATTTCGGTGGTAGGTATGTGCTTGTGGTATCG  
AAAGGGCATTGATGTTTAATTTCTAATGGAGTTTCTCCTTTCTGGCTTTCAATATGCAGCCTAACAGTTAACAG  
TATATATGGTGCATGCTTTTGTAAAGCTAAAACAAGAAATCTTTGCGAAATCTTGCCTTTAAGCTAAAACAAGTA  
TGTTCCCTCCCTAACATTTTGGCCAGTTCTAGAGCTCCCCAACCTGTTTTTAGTTTCTTCAGATTAGTGTTCAC  
ATAGTTCCTGATCTTCAATTGGCTGTAATGTCTCTGCAGTTAAGCGGTGGCGAGAAGCAACGAGTGGCTCTAG  
CTCGAGCATTCTTGAAATCACCGTCTATTCTGCTATGTGATGAGGCTACAAGTGCAGTGCAGAGCTCAACAGA  
GGCCGAAATTTGACTGCATTGAGGTCACTTGCAAATAATAGAACATCAATCTTCATTGCTCATAGGCTTACCA  
CTGCCATGCAATGTGATGAGATTATAGTTTTGGAGAATGGGAAGGTGGTTGAAAAAGGTCCCCACGAAGTTC  
TCTTATCAAAGGCAGGAAGATATGCTCAGCTGTGGGGCCAGCAAAATAATACCATTGATGCCCTTGATTCTGC  
AGTTAACTTGAAAGCGCAATAGAAAAAAGGGTCTATAATAATTCTTAATTTATATTCAATTCAAAAAATAAGGTC  
CCTTCCCTCCCCAATAATTTAAATCTGTTCTAATGGATTATAGGCCCTTTATTTTCTTATGTACCATATTATAT  
ACTTTGGTCATTGCTACTATATCCATTCAAGACCTGTATTTAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1573 HM536196|Camellia sinensis var. assamica lycopene epsilon cyclase (LYCE) mRNA,  
complete cds

TGTATCAAGTCGGGTGTTTCATATCTCAACTCCAGAGTGAACAGCATTATGGAACTATCTCTGGCCATAGCCT  
TGTAGCCTGTGAACATGATATTTTGTTCGGTGCAGACTGGCAACAGTTGCATCAGGAGCAGCTTCAGGTAAA  
TTGCTGCAGTATGAGGTTGGTGGACCAAGGTGTCTGTCCAAACAGCTTACGGTGTGGAGGTTGAGGTGGAA  
AACAATCCTTATGATCCAAGTCTTATGGTTTTCATGGACTACAGGGACTACGCAAAGCACGAAAATTCATCTTT  
AGAAGCGCAATATCCTACATTTCTTACGCCATGCCCATGTCTCCGACAAAAGTATTCTTTGAGGAACTTGTTT  
AGCTTCAAAAGAAGCTATGCCATTTGATCTGTAAAGAAAAAACTCATGTCTAGATTAAAGACTATGGGGATC  
CGAATAGTGAAAACATATGAAGAGGAATGGTCTTATATTCCAGTTGGCGGATCCTTGCCAAACACAGAACAG  
AAAAACCTCGCATTTGGTGCAGCTGCCAGCATGGTACATCCAGCCACCGGTTATTCAGTTGTTAGATCTCTGTC  
TGAAGCTCCAAAATATGCTTCTGTTATTGCAAAAAGTTTTGAAGCAAGGACAGCTAAAGGATGGTCTTGCTAGC  
GGAAGAAATTATGGGAATATCTCAATGCTGGCGTGGAACTCTTTGGCCACGAGAAAGGAAACGCCAGAGA  
GCATTTTTTCTCTTTGGGCTTGCAATTGATTGTTCAACTGGACATTGAAGGCATTGCAACATTTTTCCGGACTTTC  
TTCCAATTGCCAGATTGGATGTGGCAAGGATTTCTTGATCAACTTTATCTTCAGCAGACCTCGCACTTTTTGC  
ATTGTATATGTTTCGTCATTGCTCAAATGACCTAAGAATGTGCCTCGTTAAACATCTCCTTTCTGATCCTACTGG  
AGCAACCATGATAAGAACATATCTCACATTAGCTTGAAATTACCCCTTCCAAGATTCTTGTTCCCTGTTATGTAA  
GAACTATGTTTAGATTACACAAGCAGCCTGAGAGGTATTTTTTTTTCTCAA

>trans\_c\_1574 NM\_001084956|Arabidopsis thaliana early-responsive to dehydration protein-  
related / ERD protein-related (AT4G22120) mRNA, complete cds

GCCCACTGTTTCATCACCATTTCACTCCCCCTAAGACGCAATTCCTTGTCGGTTTGATCATTTCCTAATAAGCAAGT  
AGATGACGAAGAGAAAGGAACTTAGTAGCGTATCCTCTTAGTTTTCTGTAAAACAAGTTGGAGAATCTTCTT  
TTGTTTGATTTCGTTTGAAGCAATCTGAAGCCTCTCTTCTTCCCTATTTTTCTGTATTTGCCTTGTTAAGA  
CTCTGGAGCTGATTGGAGACTAATACGGAGATAATTAATTTGCTTGCAGGAGGAGCTATAAGGAAATGGCTAC  
TTTGCAAGATATTGGGGTTTCTGCAGCTATCAATATTCTCACTGCATTTCATCTTCTTTTGGTTTTTGCGTTTTA  
AGGCTCCAGCCTTTCAATGATCGGGTGTACTTTCAAAGTGGTATTTGAAGGGTTTAAGGAGCAGCCCAACAC  
ACGCAGGTGCCTTTGTACGTAGGTTTGTCAACTGGACTTTAGGTCATATCTGAAGTTCTTGAATTGGATGCC  
GAAGCCATCAGAATGCCAGAACCTGAGCTCATTGACCACGCAGGACTGGACTCTGCTGTTTACTTGCGGATAT

>trans\_c\_1575 BT004684|Arabidopsis thaliana At5g65493/At5g65490 gene, complete cds

>trans\_c\_1576 AB024994|Cicer arietinum mRNA for rab-type small GTP-binding protein, complete cds

>trans\_c\_1577 AB083025|Glycine max mRNA for syringolide-induced protein 19-1-5, complete cds

ATCCAAACTCCATCTCAATCTTCAACTTATACCAATGGCTTCTTCTCTGTTTTCTCAACCACTCTCTTCTTTCTC  
TACTCTTCTCCCCTTTCTTCATCACCTCCTCTGCTTCTAACTTCCACCAATCAATTGACATTACCTGGGGAGATGG  
TCGCGCTCAGATTCTCAACAATGGCGACCTTCTCACTCTTTCCCTCGACAAGCCCTCCGGCTCTGGCTTTCAGTC  
AAGAAATGAGTATCTCTACGGCAAAATCGATATGCAAATCAAGCTCGTTCCTGGCAATTCCGCCGGCACTGTC  
ACTGCCTACTACTTGCCTTCTGAAGGGTCAACTTGGGATGAAATCGACTTCGAGTTTTTGGGAAATCTGAGCG  
GCGATCCTTACACTGTTTCATACCAATGTCTTCAGCCAAGGAAAAGGAAACAGAGAGCAACAGTTCCATCTATG  
GTTTGACCCAACCTGCCGATTTCACACCTATTCAATTCTCTGGAATCCCCAACGCATTGTCTTCTACGTGGACGG  
AACACCGATCAGAGAGTTCAAGAACATGGAATCTATCGGCGTAGCCTTCCCCAAAATCAACCAATGAGGCTT  
CAATCCAGTCTATGGAACGCCGATGACTGGGCAACAAGAGGTGGATTAGTTAAAACCGATTGGACTCAAGCT  
CCGTTACCCGCATCATACCGAACTTCAACGAAAACGCCTGCATTTGGTCATCGGGACAGTCTTCTTGTGGCTC  
CAATTCCTCACCGGCCGCCGAAGACAAGCCGTGGTACTCTCAGGAGTTGGATACCGATAGCCAAGGAAAGCT  
GAAGTGGGTTCAAAGAAGTACATGATCTACAATTACTGCACTGATGTGAACCGATTTCCTCAGGGGTTGCCG  
CCGGAATGCAATGCAACTGCCTAAGTTTTAGTTCTTCTTAATTTATTATTCGTTTATTCTTACCTTTCTTGCCCA  
TAATTCATTTATTGTATGTAATATGAATACACTCGCCACCTTTGAACGTTGAACGTATTATATATTTATTGAAT  
AATTTTGGTTCAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1578 Z25863|S.tuberosum mRNA for glycine hydroxymethyltransferase

AAGCCACTTCGTGGCCACGTGGAGCCATGATTTTTTTTTAGGAAAGGAGTGAAAGAGATAAACAAACAAGG  
GCGGGAGGTGTTATATGACTACGAGGACAAAATCAACCAGGCTGTCTTCTGGTCTACAAGGTGGTCCGCAC  
AACCACACAATTACTGGTTTAGCAGTTGCACTGAAACAGGCAACAACCTCCAGAATACAAAGCCTATCAAGAGC  
AAGTTCTTAGGAATTGCTCAAATTTGCACAGTCTCTCGTTGAGAAAGGCTATGAACTTGTATCTGGTGAACT  
GAGAATCATCTGGTCTAGTAACTTGAAGAATAAGGGTATTGATGGTTCAAGAGTTGAAAAGGTGCTGGAA  
TCAGTTCATATCGCTGCCAACAAAAACACTGTTCTGGAGATGTCTCAGCTATGGTTCGGGTGGTATCAGGAT  
GGGAACTCCGGCTCTTACCTCCAGAGGATTTGTTGAGGAAGATTCGCTAAGGTAGCAGAGTTCTTTGATGCT  
GCTGTGAACATAGCCGTAAAGATCAAAGCAGAAACCAAAGGAACAAAATTGAAGGACTTTCTTACCACAATG  
GAATCAACTCCTTACTTCCAGTCCGAGATCAAAAATCTAAACACGATGTTGAGGAATATGCAAAGAAATTTCC  
TACTATTGGTTTTGAAAAGGAAACAATGAAATACAAGAGCTGAGAAAAAAAAGCCTGCCTGGAATGAAGCA  
GAAAAGAAATGGTGGCCAAGAACTAAAGGGTCGTGTGTCAAGTTTGAAGTTTAATTATTTTATGTGCACA  
AATTCAGCAGATCATTTTGATTGGGTCTGAGATGTATATATTGCATTTTGAAGTTATCTACGAAAATAAACTGG  
TTTGTTCCAGTTATTTCTTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAACAAAAAAAAAACAAAAAAAAAACCAAGCAAAAAAAAAAGA  
AAACGGCCCCCGCCCCCAGCAAACCTAAGCAAAACCGCGAACCCCCAGAGGGGGCCCCGA

>trans\_c\_1579 AB181949|Glycine max GmChl 3 gene for Chlorophyllase 3, complete cds

GGATGAAAATTGAAATCCAACTCCCACAAACCTCACTCCCCATCGCCATGGCTATGGCTACTGCTTCTTTTC  
CTCCTCCCTTGCCCACCGCCGGCTCTGCAACTTTGTCAAATGTGTTTCGAGATCGGAAAATTCAACGCGGTGCTT  
GAAAAGGTGCAACCGGATGGATGTTGCTCGTCTGGACGATTCTTCCGCCGAAGCCACTGCTGATCGGCCGG  
CCTTCCGAAGCCGGAGAGTTCCCGGTGCTGTTGCTCGTCCATGGGTATCTCCTTTACAACACTTTCTACTCTCA  
GCTCATCCATCACATCGCCTCTCATGGCCTCATCGTCTGCGCCCTCAGTTATACACAGTGGCAGGACCAGACG  
CAAGCGAGGAAATCAAAGCAACAGCCGCCGTAATAAACTGGCTGCCACAGGTCTCCGGCAACATCTACCAC  
CGCACGTCAACCCAAATCTAACCAAAATAGCCCTAGCCGGCCACAGCCGCGGCGGCAAAACCTTTTCGCCTT  
AGCCCTACAGAAATCCCCAAAATTATCAGCCCTAATCGGCCTCGATCCCGTGGACGGAACAGGCTCCGGCAAG  
CAAACCCACCCCCCAGTCCTGAAATACATCCCTCAATCCTTAGATCTAGGGATCCCGGTTCTGGTAATCGGGTC  
CGGTCTGGGGGAATTGAAAAGGAACCCGTTGTTTCCGCCCTGCGCTCCGAAGGGGATCAACCACGAGGAGTT



>trans\_c\_1580 NM\_001125629|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding  
(AT4G32640) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1581 GU478979|Bruguiera gymnorhiza isolate 2009 peroxidase mRNA, complete cds

>trans c 1582 AY059158|Arabidopsis thaliana AT3g26020/MPE11 17 mRNA, complete cds

GTTGGGTTCCAATCTCCCTGTTTTCTCATCTTCTTATCCTTCGTCTCTGTTTCTTCTTCTAATTACAGGCGC  
AGCTGGGTTTTTCTTTACAGCCTAAATCCACATCCATGTCTTCTTTAAATATGTAATTCACAATTTCTCTTTA

ATCTTGCTTCCTCACATGTTGCTTTTGCTGGAGATTTACGTGGGTCAATAGATCATGCCCAGATCTTGTTCTATC  
TTGATCCACTTGCTTATCTTCTCCACCTTAATAAAGTGAAGGAGAATAGAGGAGGAAGAGAGAGACGAAGAG  
AACGAGGTAGCTGAAAGAACTCTGTTTTGTGGAACAATAATCACATTGAGAACCTAATCAAACAGAACCGCA  
AAGTCATTTTGCCGATTATATTTCTGCGCTGGAGAGAAATTCAAGAAATCACTGGAACAGGCCGTACAAAA  
CTTGACGCAAAATGTCCGAAAGATCTTCTCCGATGCTGACCCTGAGCTGTTTGACGAGTGTCTACTCAAATTC  
AAGAAGAGGAGACACAAGAGAAGGATATGAAATCGAAGCGTGAGGCAAAGTGGAACGTTTAGAAGAGAT  
AGCTGCCAGGAAAGCTGCGAGTATCGAAGCGGTCTTGTGCTCCCAAAGTAGCCTTACGAGCACCATCTGGC  
TAGCTAACAAGAGATCTTCAAATGGGTGTTGAGCAGATTTGATATTCCAAATTGGGTATGTGGGCATAAATCA  
CCTCACCATAGGATCAAAAGCAGCAGCAGCAGCAGTTAAATTCATGGTCTCATTTTGGACAAAATTGGATTGA  
GGTGCACTCAAGAAAGTTGACATTGCTGCTGCAATGCATTTTCATGATAAAAGCTCAAATTTTCTATTTTGCATG  
CATTTTCTGTGTATATGTGATTGGGAGAGAAGGATTCGGGTTTGCCGAGCCGGGTATCCTTGGGAAATTCCTT  
TTTTGTTGTTGAATGGGTGAAAAGCAGGAACGAAGTTCAATTTTTTCATAATTGTGCTCATCAGTATCTGGATG  
ATGGTCCCTTGTAGTTTCTGCTTCTGTAATTGAAGTTTTTCTTTCTTT

>trans\_c\_1583 NM\_104184|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G53050) mRNA,  
complete cds

CACCGCCGGAGAATTATTGGAAGAAATTGCAGTTACCTCATTCAACTGGATTCAAGACAGCTCAGCCATACCG  
ACGTTGTATTGGGGAAATGTTGAAGGACTTCCCATCTTCTGTGGTGGCTCTTGTGGATAAGTTGCTTCCATAG  
ATCCTGCTCATCGGGGAACAGCAGCTGCTGCTCTAAAGAGCGAGTTCTTTACAACTAAACCACTTGCATGCGA  
GCCTACAAGTTTGCCCAAATATCCTCCCAGCAAAGAGATCGATGCAAAGTTCCACAGCTGCAGAAGGCAGTCG  
AGAGTTGAGGGCAAAGACCCTAAAGATTATGGGGAAGGGAGGCGACCAAAGAAGCTCACCTTAATCTTTCT  
CTGAATGCTAAGGATGAAATAAACATTATGCAGAAAAGGCAAGGCCATTCAAGTTTAAAGGGCCGGAGTGGT  
GTGTTGTATCCTCGTGGGGATGAAACAGTTTCTGGTTTATTGAATGCTCCGCCAAACAATCTGCCACAGAAAT  
TTGCTCAGATACAGGCAGGATTTACATTACAGGACCGCTAATTAGCAAACCAGATTGGATGAAATCTAGAAAG  
CAACTCAATGACCATTGATGGCACTTGACGGATCCAATCTCTCAGTATTATCTCGTTTAGTAGCAACGAGGTC  
TAATATATCTGATCATCCCCATGATAGACCAGGTCCATCACGATCAGAAGTAGGCAGATTGCCCGACTTCGTTA  
GGGATTCAGAGTCAACGAGAAAGCAGGACCGGATATTTTATACACACCGAGTTGCAGATTCATATCGAGTAG  
AGAATGAAAAGGCATGTGCTAAAGAACAGTCCCTGCTTGCTTATGGGACAGACATGAATAAGCTTTATACTTC  
TGGCCCAATCCTTGGTCCATCAAACAACTTGATAGAATTCTAAAAGAACGAGACCGTCAGATTCAAGAATAT  
GCTCGACAAGCACGACACAGTAAAGCTGGTGACAATCAGTTAAAGGGTTCAAGAGCAACAACCTGGAAAACAT  
CTGATGTTGAGCCATGGGATGTGAGAAAGATTACAGAAATTGCTTGACCCGGCAAC

>trans\_c\_1584 NM\_127612|Arabidopsis thaliana FLA6 (FASCICLIN-LIKE ARABINOGLACTAN 6)  
(FLA6) mRNA, complete cds

AGCTCATTCCCAACCAATCCCATCATCCCCACTTCCAATCTCCCCTTTAATATATAAATCATCACTTATCTCCTCCT  
CTCCTTCACTCCTATATCCAACCTCCTCCGCCATGGCCTCCCCCGCTCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTTGTCTC  
TCTTCTCCCAAACCCTCGCCAAACTCCGGCTGCACCGGCTCCTTCTCCTCCTGACCTATCAACTTAACCGGCA  
TTTTGTCCCAAGGCGGCCAATTCAGTACCTTCATCCGTTTGCTCAATCAAAGCAGATTAATTATTCAGCTTGATA  
ATCAGCTCAACAATTCTCAAGGGGAAGGATTGACCATTCTTGCTCCAACCTGATAATGGCTTCAATGCCCTTGAA  
TCCGGCGCCCTCAACAGCCTTGACGACCAGCAGAAGAGCCAGCTCCTCCTTACCACGTCTTGCCTAAGTTCTA  
CACCTTGACGGAGCTACAAACCATCAGCAATCCGGTAAGGACTCAGGCCGGAGATTGGGGGCTGAACTTCAC  
CGGCCAAGCGAACTCCAACCAAGTCAACGTTTCCACCGGCGTTGTCACGGTACCTATCAACAACAAGCTCAGA  
GAGCAATCTCCATTGTCCGTTTTTGTGGTAGACAAAGTTTTGTTGCCAGAGGCTCTTTTTGGCAACCACACTGC  
CGCACCACTCCTAAAGCTCCGGCTCCAGGGGCCGATAAGGCACCTGTCGACGGCGAAACACCGCCAAAATC

CGATGCCGCAAAGCCACCGGCTAACGATAAGGGTGCAGCTGCGAGAAACGGTGTAGGATTGGGTTTAATTTT  
GAGTTTTGGTTTGATTGTCATTAGTGTTGTTTCTTAAGATCATATATGATGGATGAGTTGAGTTTGAGGAAAAG  
TACTGTTTGTTCTTTGTGTGCTTTTCTTGGCATATATGCTTTCATTATTTTTATTTTTTTATTTTATTTTCTTGT  
AATTTTGACATTGAATTATTATTTCTTTTCATAATTTATATGCATATAAATTGAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1585 EU373036|Gossypium hirsutum gland development related protein 45-like mRNA,  
complete sequence

CTGGAATACCTGCACATGCTTGGGATTGTGTACCGTGATCTTAAGCCAGAAAATGTCCTTGTGAGAGAAGACG  
GACACATAATGCTTTCAGATTTTGACCTATCTCTCGTTGTGCTGTTAACCCGACTCTGGTCAAAAATCTCTCGG  
CAGAGTCGGAAGCTTTGAGAAAGAATACAGGTTACTGTGTGCAGCCTGCTTGCATTGAGCCGTCCTGCATCCA  
ACCATCTTGTGTAGTTCCTACAACCTGCTTCTCACCTCGTCTCTTTTCTAGTAAGTCAAAGAAGGAACGAAAACC  
CAAAATTGATTTGGGAAATCAGGTCAGCCATTGCCAGAGCTCATTGCAGAACCAACCGATGCCCGATCCATG  
TCTTTTGTAGGAATCATGAGTACTTGGCACCTGAGATAATCAAGGGTGAAGGCCATGGAAGTGCTGTAGATT  
GGTGGACTTTTGAATTTTTCTATATGAGCTACTATTTGGTAAACTCCTTTAAGGGGTCTGGAAATCGAGCT  
ACATTATTCAACATTGTTGGTCAGCCTCTTCGGTTTCCAGATGCACCAGTTGTGAGTTTTGCTGCAAAAGATCT  
GATAAGGGGATTGCTAGTGAAGGAACCACAACAAAGATTGGCTTATAAACGTGGAGCAACTGAGATCAAGCA  
GCATCCTTTCTTGAAGGTGTAAATTGGGCATTAATACGTTGTGCTACTCCTCCTGAAATCCCTAGGCCGGTCCG  
AGATTGAGAGAATACCACATGCAGTAGCATCAACCAGTGAAAAGGCCGTTGCAATTGCAGCAGCTGCTGCAG  
ATAAAAAAGCTTCCGATAATTATCTCGAGTTTGATTCTTTTAGAGAGAAATCCATACACTTTATAGAGGTGTTT  
ATCAATGAAAGCCTGCCTAAAACATTTCTGTTTATGGCAGGGGGACTAGTGAGGAAGAAGCATATTGATAGA  
TGTTGAAAACACTGTAAGTTTGTGTTGTCTGTTGACAGTTTCAAATTGATGTTGCACAAGTATTGGATGAATT  
CTTTTGCTTCTCCTAAAGGCTCGACTATTTAGAATGTACATCTTAGCT

>trans\_c\_1586 NM\_125056|Arabidopsis thaliana peptidase M16 family protein / insulinase family  
protein (AT5G56730) mRNA, complete cds

GTTCTGCGTTTCAGCATGGGCAGATCTATTCTGCTGGGGTCTCAGTATTTCTTGGAGGTAACAAACCGTCAAG  
AAGTGGTCCTGTTCGTGGTGATATTAGCATAAACTTTTCTTGTGACCCTGAAATCTCATCGAAGCTGGTTGATC  
TTGCATTAAATGAAATATTACGTCTTCAAGAAGAAGGGCCAACGGATCAAGATGTTTCATCTATCCTAGAGATT  
GAGCAGAGGGCTCATGAAAATGGACTGCAGGAGAATTATTACTGGCTGGACAGGATTTTACGCAGCTACCAG  
TCAAGGATATACTCTGGTGATGTTGGATCATCTTTGAGATTCAGGATGAGGGACGTTTGAATGTCCGAAATT  
CATTGACACCATTGACAGCACAGTTGGCACTACAGAGGATACTTCCATTTCTTGACAAAAACAGTACACTGCA  
GTAATTCTATTGCCAGCATCATATCGGTTGAGGAAACTGAAATCATTCTTCCGACTTGGTCTATCAAGTCCTGG  
AAGAGACGCAAAGATTTTAGTCGGCCTAGCCAGTGTAGCAGTTTTGACTTTCAGCTTATAGAGATATTGGAGT  
ACTAACAAATCCTAGGTTAATTCAATGCGCTTTGGGTTGTATCAAGTTACATTCTTCCGTACATATTGTGATGA  
ATTGTTGAGAATGAGGGACATCAACGGAGCTAAAATTGTACAAATGGAGGTTCCAGGTATCTTCCGCTAGAA  
GTATAATTTACGGCATCACCATTACCGCTGACTTAGAAGACAAAAGAGTTGATATATTCAATAACTCTGTGGA  
AGAAATTATTATAATAGATTGAAGAGGCAATGGCCAGACTCACAATTACCTGCAACATTTGGAGATTCTTTCA  
AGTGGGGGTCTTCGTTTGCTTCTTGTTTAACCCATTCAATTTCTTCAACTGGAGGTTCTGTTCTTTCTTTAAATTTG  
TTATAGATTTGGACACAGTTTGTCTTCTTCTTCTCATGGTAATTGTAGCCGGATGTATTGAACCTGAACAGGG  
GCTTTGAAAGTTCTCTCATCTTTGTAAAAA

>trans\_c\_1587 AF233297|Nicotiana tabacum lipid transfer protein gene, complete cds

TGACTCAATGGGTGGACCATAATGATAGAAATTAGATGAAATGACATATCATCTAGGATTTGATGATAAGGA  
GTTGGAATTCCTGTCATGTTTCGTACAAAATAGAAATGGCACCACCCACCATCCACAAAGATTTGGTGATGAG  
GTGAAATTATGTTAGTGGTATCACATCACCTAATCCAAATATCTTTCAACTTTAAAACTTTGAAGCCACAGTAT  
TATAATCTGGACAAAAAATTAACCAGGAGTCATGTCTATGTATCATTATCTACTTTGCTAAATTCAGATTGGTTT  
GTGACCTTTTAAATTTTCTGCAATTATTAGTAGGGTCGGATTTAGTTAAAGTCCAAGGGGTTCAAACCCCTCA  
ACTTTATATACTCTTTATATATGTATACATACATATACATATATTTACTTCGAGCTTCTTCAATTATATATATTACA  
AATTGCCATAATATCAAAAGTGTTAGCCCAATAGTATATCCATCTTCCAGTCCTTTTTAAAGTTTTATATAAAGT  
CACCGTCAACAAAAAAATTTAATGTCATTGATTGTCAGTCACACATTAGTTGAGTAAGTTTTATGAGGTACA  
TTGGAAGTCAGAAGTAGCCAATGCTCTAATCCAATGAGTTTCCTTTTTGTTTTGTATAGAGATTAAACACTTTAC  
TGACATCAGCTTGTTCAAATCAACCAAAATTATCTAATTGAGTACACCTTGTTAACCTGCTTGAATCAAGTCAAA  
AGATTATATATAGATACGCCTTGTTAACTATTGAAAGCACATCCAACCATCAATTACCTTCTAGCAGCTAATCA  
AGATAGTTTCTCGAATACAACATTGAAAATATATATTGGGTTACACTCTACCTAGCTGTTCCGTTATGTGAA  
AATCTAGTCCTTTTTTTCTTTTTCTTGAATAATTATTAGAGTTTTTTCTATTGATGGTTGGGGTGAAACCACAAAA  
AGATGAGTACTTTTAAGTATTGGATGTTATGAATGCACTTCTCAAAGTGATGTGGCTGTCATGGATTGGACA  
ACTAGATTTGGATTAACTAAACAAAATAACCTTCAG

>trans\_c\_1588 BT005843|Arabidopsis thaliana At1g09740 gene, complete cds

GGCGCGCTCAGGGGCCGTCACGTTCTGCTGCAGAACCTTCCCGTTCCCGCCGCAAAGAAAGTCACCGAGAGG  
TTGGGAATCACACCGGCAAATCATCATCCACTCTCGGAAATCACAATCTTTGAACCATGTCTGCGGATCTCCGA  
TGCGTGATTGTGGCCGTCGACGGCAGCGAGGAGAGCATGGACGCTTTACGGTGGGCGTTTCAAAATCTCAAG  
CTCTGTTTCATCAGGGCCGGATTCCACCGACGGCACTTTTGTTGTGCTTCATGTTACAGCTCCTCCTTCGATCGCC  
GCTGGTCTCAGTCCTGCTCCAATCCCCTTTGGTGGTCCTAGCGATCTAGAGGTTCTGCTTTCACAGCAGCGAT  
TGAGTCGCATCAGAGGCGGATTACAGCTGCGATACTGGAACATGCTTCACGGATTTGCTCCGAGTATCAAGTG  
AAAGTGGAGACTAAAGTAGTAATCGGAGATCCAAAGGAAAAGATCTGTGAAGTGGCTGAGAATTTGCATGCT  
GATTTGCTAGTCATGGGGTCCCGTGCTTTTGGTCCCATCAAAGGATGTTCTTGGAAGTGTAAGCAACTATT  
GCACCAATCATGTAGAGTGCCAGTCATCATAGTCAAGGACAAGAAAAAGGGAAGCTCGTCTTCAGCTTAATA  
GATTGCAGGTTTCTTTTTTTCTTTTTTTTTGTTATGTGTGCCTGTTATCGATGCTCTGAAGTGTGCTATTATCA  
ATTGGTTGGCCTTCTGCTTCCCTTTCTGCTCTTTGTATGTGCATAGGCGTTGCAGTGTCTTGTGTGAGCCATCT  
TGTGCCGCCATATTCATTTTCGTCGGCAAGATATCCAAAACAGTAAATAGTAAGTTTCTCTGTTTCTGTATACAA  
ATAATTTCCATGGCCTGGCTACTGAAAATTGCTCTGCCTTTTGCCAACCTTCTACTTTATTGAGTAACTTTGTGT  
GTGATTCTTTCTAAATAATGTCCTTGATGTCAAGAAGTTGGATTGGATCTTTTGTTCAAATATTTGTTGTAA  
AATTCAATTTTATGTGCCTCCACTCCTGGACATTATTACCTTTTT

>trans\_c\_1589 NM\_180432|Arabidopsis thaliana GLU1 (GLUTAMATE SYNTHASE 1); glutamate  
synthase (ferredoxin) (GLU1) mRNA, complete cds

AGGCCAATGATTATGTGGGGAAGGGTATGGCGGGAGGTGAATTAGTTGTAACCTCCAACCGAAAAATACCGGAT  
TTGTTCTGAGGATGCAGCCATAGTGGGGAATACATGTCTGTATGGAGCAACTGGCGGTCAGATTCTTGTTAG  
AGGAAAAGCTGGGGAGAGGTTTGCAGTCAGAAATTCATTGCTCAGGCAGTGGTTGAAGGAACTGGTGACC  
ATTGCTGTGAGTACATGACTGGTGGCTGTGTGGTTGTAAGTCTCGGCAAAGTGGGAAGAAATGTAGCTGCTGGAA  
TGACCGGAGGCTTAGCTTATATTCTGGACGAGGATGATACTCTTATTCCGAAGGTTAACAAAGAAATTGTAAA  
GATCCAGAGAGTAACTGCTCCAGTGGGGCAGATGCAGCTGAAGAGCCTGATCGAAGCCCATGTTGAAAAAAC  
TGGTAGCAGCAAAGGCTCCGTGATCCTGAGCGAGTGGGAACTTATTTACCGCTCTTCTGGCAACTGGTTCCA  
CCTAGTGAGGAAGATACCCAGAGGCTAGTGCTGAATATGTAAGAACAGCTACTGGAGAAGTGACCTTTCAA  
TCCGCTAATGGATCAAGGCAACAATTGCTTTGATCGTGTGATTAATTTGCAAATGCTGCAACTCTACGACATC

TGGATTTGGAATGTGGATGGTACGAAAAACGTTACATAACTCAACAGCGAAGGCTATGTGACTTGGTGAAG  
GAACCATGATCTACCACCATTACAGCAGTGTAAAGCCATTCTCTTGATTGATCCCTTTGTAAATATCAATTTGCAG  
CATAAAAAATAAAATGTAGATTTTCATGTAGTTTAGGGTTTCTCAATTCTTGTTGAAGCCAAGCATCTGTTTATCCT  
GTCATTAATAATAAAATTTAGGCTCGGCTCATTATTATTGGCCATTGCTTTCTTCTTTTCTGGCTAAATGTGCTTT  
TTGGCATTCTGTTTGAATTTCTCTGATTATTTGTGCTCGCATTCCGAAAAACATCAACGAACAATGTCTATT  
CTTATACACTGCTCTTGAATGTTTGTGTGTTGAAATGAAATTATTTGTTTCGAG

>trans\_c\_1590 EU494966|Malus x domestica xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 7 mRNA,  
complete cds

ACCAAGCTTTGTTATCTTCACATCTATCCTATTTCAACACCCTCACTTCGTTATAGTATCTCTTGCCGAAGCAAAA  
AAAAAATGCATTCTCCTCACAAAGGTTGGACAATAATGCTTCCACTGTGTGTGCTCATGGCTTCTATAATGACC  
GCCACCGCCGGCAACTTTCTCCAAGACGTCGACATTACTTGGGGAGGTCCACGTGCCAAGATACTAGACGGA  
GGCCGGCATCTCTCCCTCTCTCTTGACAAAGACTCAGGATCAGGTTTCCAATCTAAGCAAGAGTTTCTATTTGG  
AAGATTCGATGTGCAATGAAGCTCGTCCCGGAAACTCTGCTGGCACTGTCACCACTTTTTATTTGTCTTCTC  
AAGGAGGATCACACGATGAGATTGACTTTGAATTCTTAGGCAACTCGTCTGGAGATCCATACACACTTCATAC  
CAACGTTTACTCACAAGGAAAAGGAAATAGGGAACAACAATTTACCTCTGGTTTGATCCCAAGGGATT  
CACACCTATTCTATCGATTGGTCTCCAGAAAGTATCAAGTTTTAGTGGATAACATTCCTATAAGGGTATTCCAT  
AACTGGGAAAATATTGGAGTGTCTTACCCGAAGAGCCAACCCATGAGAGTTTATTCAAGTTTGTGGAATGCAG  
ACGATTGGGCAACTAGAGGGGGATTGGTGAAGACTGATTGGACACAAGCCCCTTTCACAGCATCATACAGAA  
ACTTTAATGCCAATGGGTGTGTTGCATCATCTGGATCATCATCATGTGGCTCTAAGTTTTCGAGTACTCTGCAA  
GGTGGAGCACAAAGTGGATTAGATGCTAAGAGTAGAAATAGATTGAGATGGGTGCAGTCCAAGTTCATGATT  
TACAATTACTGCACTGACCATAAAAGATTTCTCAAGGCATTCCAGCTGAATGCAAGCGCCCAAGGTTCTGTG  
AGAGATCTTACACCAAGCTCCAAAGCTAAGTCAGACTATATACAACCTCAAGACATTCAAATGCCTCTGTTTC  
CTATAATTATTTGATTGATGTACTTATTACTATTCTTTTGCATATTTA

>trans\_c\_1591 AF428345|Arabidopsis thaliana AT3g54190/F24B22\_150 mRNA, complete cds

GAAAGTTTAACTACTCTGCACAGGATAGTATATACAAGGTGTTTGACCTGAAAACTATACCATGCTTTACT  
CTATATCAGATAAGCATGTTCAAGAAATCAAGATCAGCCCTGGAATCATGTTGTTGATCTTCAATAGAGCTAGT  
AGCCATGTTCTCTTAAGATTCTGTGCATAGAAGATGGCACAGTTCTCAAAGCTTTCAACCATCTGCTTCATCG  
GAACAAGAAAGTTGACTTCATAGAACAATTTAATGAAAACTTCTTGTAAGCAAGAAAATGAAAACTTCAA  
ATACTTGATGTTGCAATGCTGAATTGATGGAAGTTAGCAGAACTGAATTTATGACCCCATCAGCATTATCTT  
TCTGTATGAAAACCAATTGTTCTGACATTTAGAGACCGAACTGTGGCTGTCTGGAACCTCCGTGGGGAGCTT  
GTAACCTCGTTTGAGGATCACCTTTTATGGCATCCAGACTGCAATACCAACAACATTTACATCACTAGTGATCA  
GGATCTCATTATATCTTACTGCAAGGCTGATTCTGATGATCATTGGATGGTAGGAAATGCTGGTTCTATCAACA  
TCAGCAACATCTTGACTGGAAAATGTCTAGCCAAGATTAATGCAAGCAACGGAAAACCCAAGGTCAACGACA  
GCAGCAGCAGCAGCAGCAGTGTGGCAGCTCGAGAAAGGTTTGCAACTCTTCACAGATGAGAAACACGGTTG  
CAGAGGCTTTGGAAGATATTACCGCACTTTTCTATGATGAAGAGCGTAATGAGATATACACTGGCAACAAGAA  
TGGTCTAGTACATGTGTGGTCTAACTGAAGACCACATTTTTCTTTTTAAATTTGTTTTTTGTTATTTTTTCTCT  
TTTCTGAAGTTTGCTTTGACATTGATCAAATGATGATTTGATGATGAAGATGAAAGGCAGTTCATATGTAGA  
GCTCCAATGCCGAAAAGTTGATGGTAGAATAATAGGTTGTGTGAGTTTAGTGGAAATAGAGAAAGCTTTGGTT  
GCATTGTAACATTAAATAGATTTTAATGTGTTATGTATACTGATTGTAAA

>trans\_c\_1592 XM\_002307375|Populus trichocarpa histone acetyltransferase (HAG901), mRNA

AAACGAAAAATAGGAGGCCAGGCCGCTGCTGCCTACGACGGTTCCGTGCTCTGCCTTCGCCTACGAATCCC  
CAAGCTCGCGATGGGATCCATAGATGTCCAATCAACCAGCGCTGAAAATGGATCCGCCCCCGCTCCTCTGCT  
GATGGTCGTCAAAAGTCCCTTCTCACCAGCGGTATGAACCACATATCTAACGACCCAGACGGAACGCCCCCTG  
ATAAGCCTAAGGAGTTGGGCCCCGACCAAGAAACGAATGTCCTCCATGCTTCCTCTGGATGTCGGGACCCGTGT  
CATGTGCCGCTGGAGGGACGGGAAGTACCATCCCGTTAAGGTCATCGAACGTCGCAAGTTGCAAGCAACTGG  
TTTCAGTGATTACGAATACTATGTCCATTACACCGAGTTCAATAGGAGACTTGATGAGTGGGTGAAGCTTGAC  
CAACTTGATCTTGATTCGGTCGAGACGGTTGTTGATGAGAAAAGTCGAGGACAAGGTAACAGGACTGAAGATG  
ACCCGGCACCAGAAGCGGAAGATCGACGAAACCCATGTTGAGGGCCATGAGGAACTTGATGCTGCCAGCTTG  
AGGGAGCATGAAGAATTCACGAAAGTGAAAAATATTGCAACAATTGAACTTGGAAGATATGAGATTGAGACA  
TGGTATTTCTCCCCATTTCCACCAGAGTACAATGACACTACAAAGCTCTATTTTGTGAGTTTGTCTCAACTTC  
ATGAAGCGCAAAGAACAACCTCCAGAGACATATGAGGAAGTGTGATCTGAAGCATCCTCCTGGTGATGAAATA  
TATCGATGCGGTACTTTGTCAATGTTTGAGGTTGACGGAAAAAAGAACAAGGTTTATGGGCAGAATCTGTGTT  
ACTTAGCAAAGTTATTTCTGGACCACAAGACTCTCTACTATGATGTTGACCTTTTTCTGTTTTATGTCCTGTGTG  
AGTGTGATGATCGAGGGTGTACATGGTTGGATATTTTCGAAGGAAAAGCATTGAGAGGAATCCTATAATTT  
GGCATGCATTCTCACCTTCCTCCTTATCAAAGGAAGGGCTACGGGGAGTTCTTAATA

>trans\_c\_1593 NM\_106276|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT1G76260) mRNA, complete cds

TACTGTTTGGTTCATGTTGTTAGGTTGCGTTTTATACTTATCTTCCATTTTTGTTTTCAATTTTATTGTATCAGTT  
TCCTTTGTGAAGTCTGGGGCCAGTTTTATTTTAAATTTTATATAAAGTTATAAACTAATTGTAAACAATCAAATC  
CCTTGAAGTTGATTCACTAGTGAAGTAAATTTATTTAGTACTAAGTTGTTCAACTTTTCAACGTATCTTTGAGTCA  
ATGACACAATGTTAACGATTGCAAAGTGCTGGTACTGATTCTGCTGTCAACTTATGGTTGGCATCCATGTCTGA  
TGATGAACTAAAATCTGAAAGGAAGGTCGATTCATCTCCACGGCAAGGTGATCCATTATTGCATTCTTACAGC  
GACTACGAAGACAGTGTATGTCCTTGCTTGGAGCTTTCGTGAGCCTTGATCTTCGCATCACTGTCTACGA  
TGGGAGGGTTGTTGTTGAATCAGTGAAGCCTTTTCTCTCAAGATAATGGAGTTCATTTTAGATCTTTCTCAATA  
TCGATTGCTTCCTCAGTCTGATTGAGAGTTTCTCATTACGGCAACTGGACTTGCTATAACCTTCTCTCAAAGCTT  
ATCTCTCTCCATCAGCGAGACTAATTGTTACTGAACGAAGCCTCACTCGTCTTTTCCACATCAGCGACGAGATT  
GAGAGCGTGAGGACTTGTCAGTAACAGAGAAAGAGAACTACTAGGGAATACTTTTATTGTACTGAGAATAT  
CATAGCTGTTATGAACTACCAAGTCACATCTTCTTCTATCATGTATTGTTTTGTTGTGTTGAACTTGCTCAACAA  
CTAACGCACATAGATTAACTTTCAACTAGAAAAGAAAAATAACGTTATACATTTTGATTTCTCTTGCTTTGGA  
TGCCTATGTTGTTAGGCGCAAGCACAGCTGGGAAACAAGAACATCAACCATCTAATCTGTCTGAAAAGTTTT  
TCCCACCGACACGAATTGGTACGTGTCTTACTGTATTGCCAATCTCTGTCAAAATAAAGTAGGCAATGATTTTC  
GCTCTTACTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1594 NM\_001062712|Oryza sativa Japonica Group Os05g0539900 (Os05g0539900)  
mRNA, complete cds

AGATGAAAAAACC GTTGGCCGAGTCATGTACATACTTGGGAACAGCGCCGCCGCGGACTTTCCTTCTGT  
CCGCGCCGAACTCCAGACCGTTAATTTGCCGTTCAAAACACTAGACCTCTCCACCTCAGAAATTCGTTTCTA  
GGATATCCCTTTCATTTTCTTTTCGAAAAGGAAGCAACGTGCCACCGGAAACCGGCTGCCCTGTTCCGCCGGA  
ACAGCTGCCGATTAACGAATATCAGACTCTCTCCACCTCTTCCCTTCTCATGGGCCGCTGGAGACATCGTTG  
AGTACTGTTCTCGATTGGTCGCCACCGGCGCTTCTTCGCTCTTTCATCGGGCTTCCGGTTGCTTGGTTCCGC  
ACCGTGGGAGTCGAATCGGATCCGTTGAAACGATTTCTTTGCGCTGTTTCGAGTGGGATTTTGTTCGTCACGA  
TTGCTGTTGTTAGGATGTATCTCGGTTGGGCTTACGTCGGTAACCGTCTCCTCAGTGCAGCTGTGCAATACGAA  
GAGACCGGATGGTACGACGGACAGATTTGGGTAAAAACCGCCCAAGTTTTAGCCCGCGATCGCCTCCTCGGT

TCCTACACTGTGAAGCCGGTGCTCAATAGGCTGAAGTACACCCTGGTTAGCCTTGCGGCATCTCTGCTTGTGTC  
CATTGTTGTGCTCATCAACATTGATGGAGGAGAATTGCTAGGGCCTTTCTTCACCGGAAAATCTGCGGCGAAT  
GAGGACGGCGGTAGAGTAGTTCCCGGTATTTATAGCGATGAATCCGCTAGATCTTTGAACTGATGCGTTCT  
GTGGACCTGGGGAACCTTGATCTTCTTCATTGATCTTCATTCTAATCCCAATTGTTTGATTAATGTTTTCTAAT  
ATATCTTTTAAACCATAGTTTCATACGCAATTACACATTGGTTATTGTAGATAATTGATGATTATTGTAGTGATT  
GGAGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1595 AB036735|Nicotiana tabacum NtADH mRNA for allyl alcohol dehydrogenase,  
complete cds

GAAGAACAAGCAGGTGATTTTCCGGGACTATGTTCTGGTTCCTAAGGAATCCGATTTTCATCATTACTAGTG  
CTACCATCCGCATGAAGCTTCCTCAAGGTTCAAATGGCGTTTTGCTCAAACTCTCTATCTTTCTTGCGATCCCT  
ACATGCGCTTGCTCATGGAATCTCAATCCGCCCGACTTCCTATTCTCCTGGCTCTTTGCTATTTGGGTTTGGAG  
TTGCTAAAGTGTTGGAGTCTGCCACGCGGACTTCAATGAAGGTGACCTAGTTTGGGGAACAATGAAATGGG  
AAGAATACTCTGTTGTGGAGGAGCCTGGAAAATTATCAAAATCCAGCACACTGATGTGCCTCTCTCATACTAC  
ACTGGAATTCTTGGTATGCCTGGGATAACTGCATATTTTGGATTTCATGATGTATGCTCTCCCAAGAAGGGAG  
AATATGTGTTTGTATCAGCAGCTTCTGGTGCACTTGGTCAACTGTTGGCCAGTTAGCAAAGTTGATGGGTTG  
TTATGTTGTTGGGAGTGCTGGAAGCAGAGAGAAGATTGAGCTGCTGAAAAACAAGTTCGGATTTGATGAGGT  
TTTCAACTACAAGGAAGAACAGGACTTAGATGCAGCACTAAAGCGGTGCTTCCCTGAAGGTATAGATATTAC  
TTCGAGAATGTAGGTGGGAAGATGCTTGATGCAGTGCTTTTAAACATGAGACCTCATGGTTCGGATTGCAGTAT  
GTGGAATGATATCTCAATACAACCTTGATCAGTCGGAGGGCGTGATAATCTCTTGATCTTGTACTTCAGCGG  
ATCCGAATGGAAGGTTTCAGTGCTCCTGATTATTTCCACCTTAATGCCAAGTTCTTGAAGCAATGTTGCCTAA  
TATCAGAGAAGGGAAGATAAGCTATGTGGAGGACACAGTTCATGGCCTCGAGAGTGGCCAGCAGCTTTAAT  
TGGACTCTTCAGTGCTCAATGTTGGGAAACAAGTAGTTGCCATCTCCACAGAATGATTCTGCTGCCTGTTGT  
TTCTTCAGTAATCCTTCCTTCCTTCATTTGGATCTGCTCTTGATTGTATA

>trans\_c\_1596 U66269|Nicotiana tabacum ORF mRNA, complete cds

AGGAGCGTCAGAAAGAGAAGAAAGGAGAAGTTTTAGACACCCAGAGAGAGAGAGAAAAGAAAGTAAGAAAG  
AAATTTACTTTTCTTTTCTTTTCTTTCTTTCTCTCCCTTTTCTTCTCTCGAAGTTTCCGTTGTTCTTGTCTCC  
TCTTCTCCGTTTCCAAATCTCTGTCGGGCACGAAATCGGAGTTCTGTTTCTTACAGAAATGGCTTTTATTTC  
TTTGTGGAAGAGTTCTCTCGTTTCCGTTCTGTTCTCTGCTTGGCAAGAGTTCAATGATTTTGGTACTGAT  
GGAGGACCGGCGGCCAAGTATCTTAAGCCAAAATTCAACGTTTTCACTCGCACTTTGAATCTCACACTGGGT  
TAGAGTTCCCTAAAGTTGAGATTCTACATCTTGTTGGCTGGTGCCCTTGTACTGAAAGGCCTTGAAGCCTGCTC  
TTCATCTTCAACAGCTCCATTGGAGCATTTCTTCTGATCTTGATCAGGCCATTACCACACCCATCTTGTACGAT  
TTCTACAACACTACGATGTTGAGAAGAAGGAATTCAACCAACTTTTTGTGAAATTCATCAGAATCTGGCATTGTT  
GGGAGCATTGCTGTTCTTCATCGGCATGAAGAACTCGATTCCAAAGAGGCCAGTGGGAAAGAAAAATCCCAA  
GTCCAAAACATCATAGATTATTGAGGAGGAATGAATGGATCAACTGAGAGGGGGGAAGAGGCGTATGTTTTT  
CTTTTCTGTAGGACTCTTTTGGAACTGAATTGAACACTTGTATGATCATCTCTCTTTAGTTTTTTTTTCTTTAA  
ATTTTTGAATCAGTAGGGAAAGTAAATGGGGTGGGCTGTACTTTGTTTTTGTATTTTGAAGATTATGACGA  
TATCTTCTATGGAGTTTGGAGATATTTTGTATCTTTCAAGTTAGGGGTGTTATGTGATTGTAATGAAAGTTCT  
TTCACATAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAGAAAAAGAAAAAA  
AAATCAAATAACCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1597 NM\_111398|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT3G05250) mRNA, complete cds

TGGAAGTGTCTGTTCACTGTAAACCCATGTCGGAGAAGTCCATGGAATTGCAGAGCGCTGCGTCAATGGAGATT  
AAGACAAGCACTTCCACTTCGGACTATACGGACCCCTTGCCCGATCTGCCTTGGACCCATAAATCAATCTTCCTA  
TCTCGACAAGTGCTTTTATACTTTTGTACAATTGCATTGTACAATGGACCAAAGTGGTTTCTGGGAAGCGCT  
CCTGCAGACTTTCTCCATTAAATGTCTTTATGCAAGACAGAAAGTTCATCTATAATACATGGGTAGATGGA  
CACCATTTCCAAAGACATTATGTTAATCCAGATTTCCAGGATAGCTTTATCTTATCAAAAGCTCATAAGTATAGA  
TTACAGTGCTACTATACTGAACCAGGTCGTTTTTTGTTTATCGTTCACTTATTATGTGATGATGCTCCAACATT  
TACATCTGGTTACTTGGATTTGTGAATTTCCCTAATTGTCTGCATGTAGGTTTCTTGAATGACATATTTGATGTA  
CAGAGGTATTGGAAGTTACAGAAGTATCTCCAGGCAAACAGTGGCTTGAAGTTTGGTTGAAGAGGGAACCTT  
CAAGCTTTGATTCAGGAAGAAGATGTTGACATAATTATGCATCACTTTGTTGGTTTAATTAATTCATTTTTTCGT  
AGAAATGAACCTAAGTATCAAACAGAACTCCTGAACTGAAGAGGAAGAGGTTTAGCCAAACGATTCTTGAT  
GCTGCAAAGCCATTCTTTTCGGCAAGAGCTGATCGATTATGCTCGAGTTGGAGCTATTTCTTGCTTCAGGTTT  
GAACATTGAAGCCTATGATTCAGTTTACTTGCAACGGTTGGGTTGGAACGAGCCTATAGTGCTGAGCGTGGCT  
AACGAAGAAGATCTTGGACTCAAATCTGTAACCTCATACTTGTATATCTTTGACAATGACCCTGATGATGATTA  
AACAAGCTCTTACGCATTTTAATTGTTTTTGTGAAAGTAAGTCTTGTGTTATCTCCCCACCTTTCAGTACGAATA  
TAATTAAGTTGGCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1598 AY705500|Coffea canephora x Coffea congensis microsatellite CofEST-SSR05  
sequence

CTCGGCCAACGCTGTCGTCTCCAGTTGTTTCTCTCTAAACCCCCCGGCGGAAGAAATTTGCTCTCTCCTACCT  
CGGCGAATTCGACGTTACGCGAATGGATCCCGACACGCTGGCTAAAGCATTGTCGATCATTATTATTCCACT  
TTCGACGCCAATCGAGCCGGTCTTGGAATCTCTACCAAGAAAATTCATGTTGACGTTTGAAGGTCAGAAGA  
TCCAAGGCTCTACTAATATCGTCGCCAAGCTCACTAGTCTACCCTTCCAGCAGTGCAAGCACAACGTTAGCACC  
ATCGATTGCCAGCCTTCTGGTCCTTCTGGTGGCATGCTCGTCTTCGTCAGCGGCAATCTTCAACTCGTTGGTGA  
ACAACATGCTCTCAAATTCAGTCAGATGTTCCATTTGATGCCAACCCCAAGGAAGCTTCTTTGTGCAGAACG  
ACATTTTCCGATTGAACTATGCCTGAAGTTGAGAGTAATCCATGGTGTATTGGGAGACCTGAAATGTCAGGTT  
ATTCAACCAGTTTGTATACCGTTTCAGTTTTTTAGACATTTCAAATTGGAAGTTGGATTATATTTTATTGTGCT  
TATGCTTCAATGTGTGCCTATGCAAAGTCAATTTCTTGTTGTGATTGAGAATTGATGAAATAGATACTTTCTT  
CAAATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTAAC  
AAAACCCCCACCCCCAGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG  
GGCCCCCTTTTAAACCCCCGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG  
CCTTTCCCCGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG  
GGAAAGGGGACCCCCCGGAACGGGCCAATAACCCGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_1599 NM\_001161197|Arabidopsis thaliana GTP binding (AT3G49725) mRNA, complete  
cds

ACGTGTGGATTCTGCTGAACTGAAGGACTGATTCTTCCAGATGTTGAGAATCATCTCTCTATCGCAACCTCGT  
GTCAGCCCTCTCGCCATTACGTAAACACTGTATGTTCCGCCTCAACAAGCTCTCTGCTGCCATCTAATCCTCCT  
TCCTCCAGGTTGTTGCATCCTTGGATTTGATTCTCTCTCTCCATTCTCCCACTCATCAAACACAAGAAGGAA  
GATTGCGACGACCTTGTCTCTTTTCAACAGAGACCTAACTGCTCCGCCGAACTCTTCGTTGTTCAACCTCGT  
CTTCGCCCTTATACATTTCTGCAAGCAAAGCTAAACGAGGCTTTGTGCCTTGCAAATTCTCTAGAAGAACAACG  
GGATGGCTATTTTCATATTGATTTCTTCGACAAGGATGTACCCCTCACGTCATAGTTCAAATCCTTCTGTAAAG  
AGGGGCTCGCGCTGATACATATTTTGGACCAGGGACTGTGGACACCATCAAATGCCATTTGAATGCGGCAGA  
GTCGAAGAATGAAGTCGATGCTATTTTTGTAAATGCCACTCTCTCTGGTAGTCAGCAAAGGAATTCGGAGCGG



GCGTGGAACAAACCTGTATTGGATCGCGTGGGTCTCATAATAGAGATATTCAATGCTCATGCCTACACGAAGG  
AAGCCAAGTTACAGGCTGAACTGGCTGCTTTAATGTATAAAAAATCGAGACTCGTTCGTGTACGTGGCCTTGA  
TGGACGTTATACGTTTGGTGGTAAGGGAGAAGCCGAAGTTGTTAGTGCCAGAGGGAGAGGAAGTGGGGGAC  
GTGGCTTTATAAGTGGTGCAGGAGAGACTGAACTTCAACTCCAGCGGCGAAGAATATTGGAACGAAGAAATC  
ATCTTTATTCCCAAATTGAAGAGGTTCGCCGTACACGTTCTTTGCAGCGTGCTTCTCGAAAGAGGCATGGAGG  
TTCGAATGGCCAACATTTAGCTACAGTTGCTGTTGTTGGGTACACTAATGCTGGGAAGTCAACACTAGTCAGT  
GCACTCTCAGACAATGATCTCTACAGTGATTCTAGAATGTTTGCAACTGT

>trans\_c\_1600 BT005833|Arabidopsis thaliana At3g09720 gene, complete cds

CATTGAGGAAAAATGAAAGAAGTTTTTGGCATATCATTTTAAAGACACAGAGACTAGTTGAAGTGTTTTTAAAT  
CTTTCATTCTCGGTCTAATATTTTTACTTGAATGCAGCGAGAAAATGTTGTTGACGATTCAGAGCTGGAAAAA  
CTTGGGTTTTAATCGCCACTGATGTAATTTCTCGAGGAATGGATTTCAAGGGGGTCAACTGTGTAATCAATTAT  
GATTTTCCAGATTCTGCGGCGGCATACATTCGAATTGGTATGTGCCTTATCTTAATGTTACGTTCTTTTGTCT  
TCTAACTTGACGGTGCACATAATCCATAACGATGTTAAAAGATTCTGGTTAACATGACTACTTAGTTGAAATT  
GCATTTTCAAATAAACTGGTCGTTCCGGCAGAGCAGGAAGGAGTGGAGAAGCCATTACATTTTATACAGACG  
AGGACATCCCATTCTGCGAAATATAGCCAATGTTATGTCAGCCTCAGGTTGTGAAGTCCCATTCTGGATCACC  
GAGCTTCGGAAAAATGAAGTGGAACCAACAGGCGGAAGAGAGATTCAATCTCAACCAAAACCAATGAAGAT  
GATGACACTGAGCCACCAAAAAAGAACGAAAAAACACAGGCCTAAAAGGAATTCAATCGCAACCAAAACCA  
AATCAGGATGGTGACACCGAGCTAAAGAAAAAAATTTCAAGAAAATCAAGCGTAAGAGAGATTGAGACTCA  
ATAAAATCAAAGGATGGCGATGACGCTGGGCTGCAGAAAAAGAACGAAAAAACACAGGCATAAAAGAGA  
CTCAGTGTCAACCAAAACCAAGAATGATGACGAAGCCTAATTTACCTGCTACCTCTTTTCGATTTTCTTATCAA  
AACTAAGTATTCCTTTAGGAAGTTTTGTCCAATTATGTGAAAATCTGTTGATTATACCCAATTTTGACTCTTA  
AAACATGAGGTGCAACGGCGGAAGTCTATTTCTTTAATTACAAGAATTTGTAGGCCTACCTTGAAGAATTG  
AAGATTTATAAATTATACTTGATCGACTTTGGTCCTTGACGTAAAAAAA

>trans\_c\_1601 NM\_117370|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, zinc-binding dehydrogenase  
family protein (AT4G13010) mRNA, complete cds

TCAATAAGATACCAAAGTGGATGATTGACTCATTCCATACTAGAAATAATCGCAGGAAATCCTTTGATAACAC  
GGATTCCTATTTCTCAATGATATCCCACGATCAAGACAATTGGCTAAATCCCGTGAAACCATTTATAGAAGTT  
CATTGATATCTTCTTTTATAAATTTATAAACTTTCAAATTTACAATTTAATCAATAAAGGGCTGAAATTTAAA  
GCATCTTAAATACCGATTGTTCCAGCGCCTTCCAGTGCGGTGCCATGGCTTCGAGGCTTATGCAAGCGGTTCT  
GTATGAAGCCTATGGTGGCGGATCGGCTGGGCTCAAGCATGCAGAAAGTCCCATTCTAAACCAAGACAGA  
CGAGGTTTTGGTTAAAGTGAAGCAGTTAGTTTGAATCCAATTGATTGGAAAATTCAGAAAGGACTGATACGC  
CCCTTTTTCTCGCAAGTTTCTCATATTCCTGGCACTGATGTAGCTGGAGAAGTCGTAGAGGTTGGAGCAGG  
GGTCAAAAGCTTAAAGCTGGGGACAAAGTTGTTACATATCTTAGCCATGCTACAGGAGGTGGACTTGCTGA  
GTATGCTGTAGGAAAGGAGTCGGTAACGGTTTACAGGCCCCCGAAGTGACTGCGGCCGATGGCGCTGCCCT  
ACCTGTCGACGCTTTGACAGCTCACCAGGCTCTACCCAAGTTGCCGGTGTCAAGCTTGATGGGAGTGGCCCT  
CAATCGAACATTCTCATCACTGCTGCCTCTGGTGGTGTGGTCATTATGCTGTTGATAGCAAGTTAGGAAA  
CACACATGTGACGGCTACTTGTGGCGCCCGTAATATCGAGTTTGTGAAGAGCTTAGGTGCAGATGAGGTTATT  
GATTACAAAACCCCGAAGGGGCCGCTTGAAGAGCCCATCAGGTAAGAAGTATGATGCAGTGTTTCATTGT  
GCCTCAGGGATCCCATGGTCTGTATTTGAACCAACTTAAGTCCTAATGGTAAGGTCATAGACATTACTCCAAC  
TCCTGCTGCGTTGGCGACTTTTGCCTTTCAGAACTCACCTTCTCCAAGAAGC

>trans\_c\_1602 AC009176|Arabidopsis thaliana chromosome III P1 MLP3 genomic sequence,  
complete sequence

AAATAAGGTTTTTGAGATTCCATCTTCTACGCCGGCGATCCGCCATTTTCAGAGTTGGGATAGCTCGGAACTCA  
GACAATGAAATTAGCTCCAAAAGTAATATTTCTCCTCAGAGATTCTGAGGGTTTTGCCTCAGCCCTTCCGGAG  
CTCTTCGCCTCAACCCTCCTCCACGGTCACCACGCTGGATGAAATTTTCGAGTTCTCCCTCGAGGATTATGCAA  
TCAAGGACCAGAAGGCCTCCGGTAACATCGTTCATTATCTTGATGATAAGGGAATTTATCAGGTTTCAGTATTA  
ATCTTACAAAATTACGAACCTCCAGTCTTGGCGTGTGCTTTAGATGTAGTTCTTTCACACATAGCAGGAGAACG  
TTCACCCTCTTCTCTAAAGCGAAACCCACTCTTGTAGTCCCATCTATCATTACATCCTCAAAGCTCAAGTGGGA  
GAGCAAACTCTCACCAAAATGATCGGACTGTTCTTCTGTATGGTACCCAAGTAGGTCCAGAAACAGATATT  
TCTCAAACGATGGGTGCCAAAGTCAAGAACTACCATCAGCTTCACAGATCTACTACGAGCAACTAGCCTGTT  
TATATCACTTGATTCACATCTTGAAGATTCTGCTTTTTTCGTTGTTGGACTAACAGGTCGTAGTCTTCCAATC  
AAGCTGCAGGTGAAGAGATTGAGATACTGAATGAAATGGGTGAACTTTTAGCAAACCTTGCCACTCAGCTT  
CTCAAGAGAAGGAATTGTTTGAATCCAAAAGAAACATCAAAGATGTAAAGGAACCATGGCGTGC GTTATA  
TGGATGATGGTTTGGTCTTTTTGCTACCTTTATTTAGTTCATCTGGCAAACCTAGGGTTATTTTTGTAATCCCA  
TATGTCAAAAATACAATTATTAATAATTTAAATTTTGTAAAGAAGAATCTTAGTTTAGATTTCTTCTGTTTATAA  
TCATCAGAAGAAACAAAATATGCTTGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1603 NM\_102828|Arabidopsis thaliana molybdenum cofactor sulfurase family protein  
(AT1G30910) mRNA, complete cds

ATCCAATCAAGTCATGTCGCGGTATTTTCAGTTCCCCAAGCACCTCTTACCCCTACTGGATTCGATGGGACCGT  
CAATGGTTGGTTGTCAACTCTAAAGGAAGGGCTTACACTCAGAGAGTCGAGCCTAAGCTTGCTCTCGTCCAGG  
TCGACCTCCCAAACGAAGCTTTCTTCGATGACTGGAGCCCTTCTCAATCCTCTTTTCTTGCTAAACCCCTTTCTC  
TTTTTGGCAGTCATTAAGCTCCTGGGATGGATGTCTTAAGGGTTCCCTTACTCAACCTCAGTATAATGCTGA  
TGGTGTCTCTGTCTGGGAATGGTCTGGCTCTGCACTCGATGAGGGAGATGCTCCATCAAAGTGGTTTTTCAGAT  
TATCTTGGAAAACCCAGTCGTTTGGTGCCTTTAATCCAGCTTCACAAACAAGGGAAGTAGATCCCAATTATG  
GTCCTGGACATCAAATCATGTTTTCGGATGAGTTCCCCTACACGTTGATATCTCAGGGATCTTTGGATGCTTTG  
AATAAAGTTCTCAAAGAACCCGTATCAATTAATCGCTTAGACCTAACATTCTCGTTGATGGCTGCGAACCAT  
CTCCGAGGATTTGTGGACTGAGATCGAAATAGACAAGTTCATATTTTCAGGGTGTTAGGCTATGTGCCCCGTTGC  
AAGTTACCTTCAATAAACCAGGAGACTGGAATTGCAGGACCTGAGCCGAATGAACTCTAAAGAAGATGAGA  
TCAGATACCGTCCTGCGTCCAAACCATAAACAAGGAAAAAATTTCTTTGGCCAGAATTTGGTTTGAAGA  
ACATAGCAGCTGAGGGGAAGGGGAAAAATCATAAAAGTGGAGATAAAGTCAAGATTCTGGGGAAAGTTGCCT  
CTGTAGCGGAAGCAGTAGTTTGAATACGTAAGATTACTAATTATTATACAATAAGATTATGATATGGGCTTTTG  
TTTATATAATATATATTGTAGTAGCCAAATATGAAAGCAGTAAGATGATACAGTTGTTTGCCCTTTGTTTCCTGT  
GTGACATTGAATATGAATATTATATGTATGAATAAAAAGGGGTATGAG

>trans\_c\_1604 AJ749993|Catharanthus roseus mRNA for 40S ribosomal protein S9 (rps9 gene)

GGAGGCCTCACAGATGCAGCCTTGTCACCTTAGTGTCAATCTCGTCCATCAAAGGAACTTGCCTGTCTATTTTC  
CTCATTCATATCATGTGCCATATTCCTCAGAGTATCCAACCTTCCGATATCATGTCCAATCCTTGATCCTGCTTC  
ATTTTCCTCATTTCACTCCTGCCTGAACTGACTAGACTGCTCAGTGTGTTGGAAGTACTCATCATCAAACCGC  
CCATCTGAGTCAAATTTGATTTAGCCTCGTGCCGAATTCGGCACGAGGGCCGCTCTTCATATACCTTTCTTCCC  
CCTTCTCCTCCTCCCTTCTTCTTCTGTCAGTGGAGATCATTCTGTTAGTGCAGCCGTAGCAGAGAAGAGAT  
CATGGTGCACGTTTCTTCTATAGGAATTATGGGAAGACGTTCAAGAAACCCGACGTCCTTATGAGAAGGAG  
CGTCTGGATGCAGAGTTGAAATTGGTTGGAGAATATGGGCTTCGTTGTAAGAGGGAGTTATGGAGGGTTCAG  
TATGCTTTGAGCCGAATCCGAAACAATGCTCGGATGCTTTTAACTCGATGAAAAGAATCCGCGTAGGATTT  
TTGAAGGAGAGGCTCTCCTTAGGAGGATGAACAGATATGGTCTCTTGGATGAGAGTCAGAACAAGCTCGATT

ATGTCTTGGCTCTTACTGTGGAGAATTCCTTGAGCGTCGTCTCCAACTCTTGTGTTCAAGTCTGGTATGGCC  
AAGTCTATCCACCATGCTAGAGTGCTCATCAGGCAGAAGCATATTAGGGTTGGAAGGCAGGTGGTGAACATT  
CCTTCTTTCATGGTGAGAGTAGACTCCCAGAAGCACATCGACTTCTCCCTCACAAGTCCATTCCGAGGTGGTCG  
TCCTGGAAGAGTGAAGAGAAAAGAACAGAAAGGCTGCCGCAAAGAAGGCTGCTGGAGGAGATGGAGATGAA  
GAGGATGAAGATTGAGTTACTTAAACCTTATCTATCTATCACTATTTTATCAGAAAGAATGTTAAATCCTTCTTA  
GAAGTTTTGCTTTAAATATGTTTGAAAATCCCTTGGCGCTTATTCCCC

>trans\_c\_1605 EF464672|Gossypium hirsutum 26S proteasome regulatory subunit mRNA, partial  
cds

ATTGGACTGAATAACGACTTGAAAGTTCCAAAATTTGATTTCTGTCCACGCAAAACCTTCATCGTTTGAGTA  
TCCTAAACCGACCACTGTGCCTGCCGCTACGTCTGCCGTAAAACCTCCAAGTGCAGTTTTGTCAACTTCAGCGA  
AGGCTAAAGCCAGGGCCAAGAAAAGAAGCCGAACAAAAGAACATTGCAGAAAAGTCTGCTTCTGAATCTTCAT  
CCACAGTTCTAATTCTGCTAAAGGCAAGGCAACAGCTGAGAAGGATGGCGACTCCATGCAGGTTGACAACC  
CACCTGAGAAGAAAGCAGAACCGGAGCCCTCCTTTGAAATTTGACCAACCCAGCTAGAGTGGTTCCTGCTCA  
GGAAAAATTCATCAAATTTTTAGAGGACAGCAGATATGTACCGGTGAAGTTGGCTCCTTCAGGTTTCGTTCTAC  
TGAGGGATTGTCATCCTTCTGAACCTGAGGTCTCTCTCTAACGGACACTCCATCATCAACAGCATCACCTGCC  
AGTGGTTCAGCAACCGGGCAGCAAGGCTCAGGATCAGCCATGGCTGTAGACGAGGAGCCTCAACCACCCGAG  
CCTTTCGAATACACATCGTGATCATCTCAGCTGTTAATTTGTTTTTACTAGAAGACATTGCGGAGCAAACCTGGG  
CAGAAGTAAATGCAAGATATTATTTAGAGTTTGGTTAGCTCGACATGCTACCGATGCCTATGTATGAACTGGA  
TTTCTTCTTTTTTGTGTATCAATGTTTCAGATTCTAGAAAGATGGGAATGAAATTGTGTATGGAAAGCTAAAG  
CCACTCTATGCTCAAAAGTGTTTGATGCATTTGTAGTCGAGACATTATTATCGTCGCCGAGCGTCTCGGTGAC  
TGAAGAGCTCAGTGATACTTCTTACCACCTGTTTAGTTCTTTTTTCTCCCCTTCCCCATCTGTTTTCCAAATTAAT  
CCCCTCATTTGGGAGTCAGCTATGCAATTAACAGGGTGGTATTATTCCATTCCCCTTGCCATTTGAGATATT  
GATCTGGCTACTTTGTTACAAAAA

>trans\_c\_1606 NM\_111480|Arabidopsis thaliana PRXIIF (PEROXIREDOXIN IIF); antioxidant/  
peroxidase (PRXIIF) mRNA, complete cds

ACTGATTGACCTTTTTCAATTTGATACTTGACGATCTTGTATCAGCTACGCTTATCCATGGCGTCCGCAATTCTG  
AAGCGAGTCAGCGCCTCTGCAATGAGCTCGCTGGTTGAATCTATACGAATCGGAGCTTCATCGCGAAACTTTG  
CAGCGGTCGCGGTCGGGACTGACATCGTCTCCGCCGACCGGACGTTTCTCTCCAGAAGGCTCGGAGTTGGG  
ATGAAGGTGTCTCCTCTAAGTTCTCCACCACTCCGCTTAAAGACATTTTCAAGGGCAAGAAGGTCGTTATCTTT  
GGGCTTCTGTTGCGTATACAGGAGTTTGTCTCAGCAGCACGTTCTAGTTACAATAATAAATGATGAGTT  
CAAGGCTAAAGGAATTGATTCTGTTATTTGTGTGTCGGTTAATGATCCATATACTCTCAATGGCTGGGCTGAG  
AAACTTCAAGCTAAAGATGCTATTCAATCTTTGGGACTTCGATGGGAAATTTACAAAAGCTTGGAAGTGG  
ATAAAGATCTTTCTGTTGCTTTGCTCGGTCTCGTTCTGAAAGATGGTCAGCATATGTTGTAGATGGAAAAGTT  
AAGGCTCTTAACGTAGAGGAAGCTCCATCTGACTTTAAGGTTACTGGGGCAGATGTCATTTTGAATCAAATTT  
AGAGTCAGTTTCCAACACAAGCTCTTGGGTTCCGAATAAGACCATGCCTGTAAATTAGTTATGTATTCCAGAG  
GTTTTCAATTTCTTTTTGGTTGTTTTCTGCTGTAGTAAATCCCAAGTGACAATTGCTTGGATCCTTGCCTTTCACT  
TATTGTTCTTCATAAATTAATGCTCCAACCTTGGATTTAGAACTCGGAGAATTCTTTGTTCAAACAAGGACTTC  
TGGATTGGAATATCAACCCTAACTCTAACCATGAGTAAGAGTAAATGATAAGTATTGGTTGAGATCTTCTCTT  
CTCCAGTTAAGGGTGTGGAAAAAGTTTTAGCTTTGAACTTGATTGGTCTTGATCTCAAGTGATAAAGTGAAAT  
GTCAGTATGAAGGTGAGTGAATTCCAAAAA

>trans\_c\_1607 AY733075|Olea europaea plastidial delta-12 oleate desaturase (FAD6) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TGGAAAGAGGAATTTGATTAGCTCCTATTTTGCCTAAAGCAATCATATATGGTTACGGTCCATTTTCGACCGTG  
GATGTCTATAGCTCATTGGTTGTTGTGGCACTTCGATTGAAAAAGTTCAGACCAAACGAAGTGAAAAGAGTG  
AAGATAAGCTTAGCTTGTGTTTTTGCATTTATGTTTATTGGATGGCCATTGATCATCTACAAGACTGGGATTCTT  
GGGTGGGTCAAGTTCTGGTTAATGCCATGGCTGGGCTACCACTTCTGGATGAGCACTTTACCATGGTTTCATC  
ACACAGCTCCTCATATACCGTTAAGTCATCAGAAGAGTGGAACGCAGCTCAAGCACAGCTCAATGGAACAGT  
TCACTGTGCTTATCCTCAATGGATTGAGATTCTGTGCCATGACATCAATGTGCACATTCCCCACCATGTTTCTCC  
AAGAATACCGAGTTACAACCTACGGACAGCTCATAAGTCTCTTCAAGAAAAGTGGGGAAAAGCATCTGAATGA  
GGCTTCATGGAATTGGCGATTAATGAAGACAATCATGACGGTATGCCATGTCTACAGTAAAGAGGAAAACTA  
CGTCGCATTTGACCGACTCAATAAAGAAGATTCTTATCCATTACATTCCTCAAGAAAGTTATGCCTGATCTTGC  
TTGATTATCTGACTTACTTCAACCTCAGGAACACAGACGCTTCTTTCTTTCTTCGCTGTGCAATGTTTTCTCCA  
CAGATTTTGAAGACGAAATGGAAGGAAAGCTTGCTTTGGTTGGCTGCCGTATATTGAGTTAAAGAATATATAT  
CTCTATTTCAATTTCCAGCCTCTCATTTTTTTGTTCTTTAAGGTAGTTGTGATCTAAAGTGGAACACAGACCTT  
TGGTGTTTTATGTTACCACTTTATAAAAAGGTGGAATGGAACGAAACATTCTCTTTATCAAAGAGACCTACTG  
ACGAAAGATCAATACAACACAACCATTATCATTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1608 XM\_002865180|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AAAAAGTCATTTATTCTCCTCTGGGAAGGAAATTAAGTCATTTGATGTCCATCAGGCCACAGCATCGAAACCGT  
TGGGGAGTTATAGTTACAACAAAGAGGAGATAAATCAGGTTTCTTGTAGCCCAAAGCTTCTTTCTGGCTGC  
CGCTGATGATGGTGGTGATGTTAAGATCATTGATGTTACAATAATTGCCTATATAAAACATTAAGATCTGGCC  
ATACAAGTATCTGTAGCAGTGTTCAAGTTCTTCTTGGAGACCCTGGGAAGTTATTACAGGAGGACTTGACTCA  
AAGCTCATTATGTGGGACTTTTCCAGAGGTCGCCCCATTCAAGTACTTGATTTTGATATCCCTGACAACCACCC  
ATCCAGCAGCACGGGACAATGTTTTAATCCAGCATTATTCATGCAATAGCAGTTCCTGAAGTTAATATGCTGG  
ACAGATTGGGCCAGATATGTGTTGTTGCAAGGGGCGACGGTATTGTTTCATGTGATTGATATTGAAACAGAGA  
AATCAAAGACTTCCTCAAAAACGGTTAAAAAAGTACAAACAAGATCTAAGGGAGTTGCAGCTGCTTGTGATAT  
GGATAACCAAGAGCAAACCTGGAAGAAAGAGGTTATATCTGGATTACACTGTTGGTGGACATTCTGCTGCCGT  
GTCTTGTGTGGCATTTTCTCAATTTGGAGAGAAAAGGGAAGTTTATAGTTTCTGGTGGGAATGATAAGTGCATA  
AAGCTTTGGAATTGGCGTGAAGTTCCTGATGGTGGGAAAAGTAGCAGCAGCAACAACGAGATTCTTCATTTG  
AACATCAATCTGAGCAAAAAGGTGAATTGGCTTTGTACTACTCCATCTGAAACAGAAAACCTTATCGCTTGTGA  
TACTAGCAAAAGTAGTGAAGGTATATAATGTTGCATAAATTCCTCAAAATCAGAGCTTAGGAAGATATCTGAGG  
AATTCTGAACATATGCTGCTGTTCTTATATTTGAAGCATCTGACTTTAGATCCTTAAAGAGTAACAATTTTGACAC  
AAAGATTTAGCATTTACTGAAAATTGCCTCCAAATCTTTCCTGCCCTA

>trans\_c\_1609 AY122895|Arabidopsis thaliana AT3g10060/T22K18\_11 mRNA, complete cds

GGAGATTGTGGATATCATCTTCCCTTTCTCTAAAGTTTCAGAAAAAAAAAAAAAGAGTTTTATGAACTAATTTCC  
CTGAATCCGATTCCATAGCAGTCACTAATCGAATCAATGGAGCTTTCTTCTCCTTCCTTCTACAGACAAAAC  
CCCACTATTTTCCACAAGCCCTCAACCCCTTCGCCGTTATCGGGAAGAGGCGGCCATCTTTTTCCCTTGTCGC  
TGCTCCTTATCGTCTTCAAGAGGAATCTTCAGAACAAAGTTAAAGAATCGCTGCAGTGTGAGGGAAGAAGG  
GCATTGATTGGTTCTTCTGTCGACGGCTACTGGCATATATTTCTGCAATGTAGCCGAGGCTGTTAGCACAAAG  
TAGAAGGGCTTTGAGAGCATCAAAAATACCTGAAAGTGAGTTTACAACCTCTCCGAATGGTCTGAAGTACTAT  
GACGTGAAGGTTGGAGGAGGAACCTAAGGCTGTGGTTGGATCCCGTGTGCAATTACTATGTGGCTAAATGG  
AGAGGGATCACCTTTATGACAAGTAGACAGGGGCTTGGTGTTGGTGGAGGAACGCCTTACGGATTTGATGTA  
GGGCAATCAGAAAGAGGAACAGTTCTCAAGGGGTTGGATCTAGGTGTTCAAGGCATGAGGGTAGGAGGCCA  
GAGATTGCTTATAGTTCCTCCTGAGTTAGCTTACGGAAGCAAAGGGGTTCAAGAAATTCCTCCAAATGCAACA

ATAGAGTTGGATGTGGAATTGCTATCCATCAAGCAAAGTCCATTTGGAAGTCCAGTAAAAATTGTTGAAGGTT  
AATAAACAAAACAATTTTGATAGCGCGATATCTCAGTGATGTGGACTCGCAAAGATTGAACTATGAAATTGG  
TGCTGAAGGGAAAAGCTTACCTGGTTTGAATTTGAATCTTCTTTATACAGCAAGATACGTCCATTACCATTTTAT  
TTAATATTTAATTTTATTGAAACGTGAATCCATTCCCCCATCTTAATGAATATCACTTGTACTTTATGGAAAGC  
AACTGAGATTTTTTAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1610 XM\_002890108|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatase 2C family protein,  
mRNA

TTGCACGAGTCTGGTTGCCAAATAACGATTGCCTGGTTTGGCGATGGCAAGAGCTTTGGAGACTTTTGTCT  
GAAGGATTCGGTCTTATTTCTGTTCCCGATGTTTGTATCGTCACCTTACCGCAAGGGATCAGTTTGTAAATTCT  
TGCCACTGACGGGTTTTCTATTTGTATGGAGGAAGGGTGCCTTTCTTCTACTAGGTTTGGGACGTTCTTTCA  
AATAAGAAGCTATCGAGATTGTTGCATCAGCCCTTCTCGCGAAACAGCAGCCAGAGCTCTTGTGGACTGCG  
CCGTTTCGTGCATGGAGACTGAAATATCCTACATCCAAGAATGACGATTGCGCTGTTGTATGTCTCTTTCTCGAG  
TATGAGCCTGAAGTAGAAGAAAACACGGAACTTGTGTAATGCCAGTGGAAGAAGTTCTGGTCGCACCAAGC  
AACGACGCAAAAGACATCGAAGTTGATTTAGATGATCGTAGAACAACTGTTGTGAGCAGTCAGGCACTGTA  
CAAAGCTGTAATGAGATTGTACCTGTCTCCGACTCAACGGATGAGAAAGTTGTTGCTGGAGGTCGAAACCGG  
TCAAAGAGAAGCTTAGCTGAGTGCAATTCAAATGAAGAGGAGGAATGGTCTGCATTGGAGGGTATTACCAGA  
GTGAATAGTTTGCTAAGCCTTCCAAGGTTCTTTCTGGTGACAAAAGATCAGGCAGTTGGAGAAAATGGCTAT  
GAAGTTTCTCTTTTCAAGTGCCATTTTTATTGTTTGTAGTTTGGAGGCAGAAAGTTCCTATTTCTTGTGGATA  
TAAATATCTTCATTTTCAATGCTCTGATCTTGCAAATAAAAGAAAATTTGTATTGGGAATTATTTCTTGTATTT  
GGAAAAAGATATACGTAGTGTTGTTTATAATCTCAATTATATTAAGCATAACAAAAAAGACGATTGTATATCT  
TAGAGTTAGAGATTATGGTTTGGTCTTCTAATTTATTTATATGATGTCTTGAACTCCATCTTTAATCTTAAAT  
CTAATTTCTGATGGTTTGTAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1611 AY283056|Gossypium hirsutum central motor kinesin 1 (CMK1) mRNA, complete  
cds

AATGACGGGAATGAGTTGAAAAGTGGGAAGCTTGTTGGGAAAATCTCTTTTATTGATTTGGCTGGTACTGAAA  
GAGGTGCTGATACGACTGATAATGACCGTCAGACAAGGATTGAAGGAGCAGAAATCAACAAAAGTCTTCTGG  
CTTTGAAGGAATGCATTCGTGCCTTGGACAATGATCAGATTCATATACCCTTCCGTGGAAGCAAACCTCACAGA  
AGTGCTCCGCGATTCTTTGTTGGCAACTCAAGAACTGTTATGATATCATGCATTTCTCCGAATGCTGGTTCAT  
GTGAACATACTCTAAACACTTTGAGATATGCTGACCGGGTCAAAAGTTTATCCAAAAGTGGAAGCACAAAAAA  
AGATCCAGCTGTTAGTTCCAGTGTCGAATAGCTAGAGATGTTTCTTCAGCCCCATCTATCCCAATTCCAAGT  
AAGCAGAAGATACGAATATGCTGCGCCAAGAGGTGAAATTAGGGGAATTGGGCAGAAGGGTTGCTGAGAAA  
GAGAGTCTCTCCTTCCAACCTTGACATGCCAACTACTGCTTGGCATCAAGCAATAGCTTTCATGCACGAGA  
AACTGTAACCTTCTGCATCATTCGACAAGGAGCAGCCTGAAATGAGGAGCACTCATAGTGATCCAACGGGTCTG  
AAAGATTCCCATGTATGCCAGCGCAACTTAAATGATATAGAGGAGAAGGTGCAAAAGGTATCACCACCCAG  
AAGAAAATCAACCCGTGATGAAAAATCGGAAAAATCGGGGAGCTGGCAGAAGAAAGATAACGTCGTGCCTG  
ACGTATCAACTGCAAGCCCCAAGCAGTATGGTCCAGGGATTCTAATACAAATGATACTGGATTCAGAAAGTC  
TGAACCCGAGCCAACCTCTGATGGGAATATTAATGCCATATTGGAGGAAGAAGAGGCGTTGATCGCTGCTCA  
TCGGAAAGAAATTGAGGACACCATGGAGGTAGTGCGAGAAGAAATGAACTGTTGGCAGAAGTAGATCAAC  
CTGGAAGCCACATTGANGACTATGTGACTCAGTTGAGTTTCGTGCTGTCTCGAAAGGCTG

>trans\_c\_1612 XM\_002298396|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

ATTGTACCTTACCTGCCATATGTTTACTCACTGGAAAGTTTATCATTCTCAGATCAGCAACCTTGCTAGCATCT  
GGTTCATCTCTCTCTTTCTTTCCATCTTTGCTACCGGTATTCTGGAAATGAGATGGAGTGGTGTGGAATTGAT  
GAATGGTGGAGAAACGAACAATTCTGGGTATTGGAGGTGTGTCGGCCCATCTTTTGTCTTCCAAGGTC  
TTCTTAAAGTTCTTGCGGGAATTGACACAACTTCACGGTACTTCGAAAGCATCCGACGAAGATGGAGATTTT  
GCTGAGCTCTACATGTTCAAGTGGACCACTCTTCTCATTCCCCCACTACTCTCCTAATTATCAACATAGTTGGA  
GTTGTTGCTGGAATTTCTTATGCCATCAACAGTGGTTATCAATCTTGGGGACCCCTTTTCGGCAAACCTGTTCTT  
GCTTTCTGGGTGATTATTCATCTGTATCCCTTCTTAAGGGTCTGATGGGTGCGCCAGAACCGAACCTCCACAAT  
TGTGGTTGATGGTCTATCCTTGCCTCAATCTTCTCTTTTATGGGTTGCGATCGATCCCTTCACAACCTCG  
GGTAACTGGTCCTGATGTGCAACAGTGTGGAATCACTGCTAAAGGGAGTTTATATTTTATACAGATAAGATG  
AAGAAAGGAAACAATAGTCTCAAACGAAAACATGATCCAGATCAGGCAATTTATTTTCTGTTATCGTCCCTGA  
ATTGGTATCTGGAAGCTAATGCAGGTACAAACCTATAGCTTATCTATGGACGATCGTATTTAATTTATTTTATTC  
GGTGCTGTGTTTTAGAGTTTGAAGTTACAAAAGAGATTGATTTTCAAGATTGATGATGATCTTGATCTCTTCAA  
ATTTTTTCCCCTCCCCTTAAATGTTCTTTGTATGTACAAATAAAACTGATGACACATGATGATACTTGTTTGTTAC  
TCTTCTTCTCATGTATTAAGTATAAACTATGATGCTGGTTAATTATTAACAAAAA  
TTTTGTAAAAA

>trans\_c\_1613 NM\_127823|Arabidopsis thaliana NIC1 (NICOTINAMIDASE 1); catalytic/  
nicotinamidase (NIC1) mRNA, complete cds

ATTGATGGGTGTGAACAGTTGCCTAAAAAAGATGGTTTCGAGCTCCATTGATGTTTTGAAGAAGGAGATTCC  
ACTGAAGCAGGAATCTGTGGTTTTGGCTGAAGATGCTGTGAACGGTCTTGTCTCGTTGATATTATCAATGGC  
TTCTGCACCGTTGGCGCTGGAAATCTGGCACCAAGAGAGCCAAATAGACAGATATCTGAAATGGTGAAGAA  
TCAGCAAGAATTGCAAGGATTTTCTGTGAGAAGAAATGGCCTGTGATGGCATTATTGATTCTCACCAACCAA  
ACAAACCTGAGAAACCATATCCTCCTCACTGTATTGTTGGTTCTCATGAATCGAAGTTGGTTCCAGCTCTGCAAT  
GGATGGAGAAGGAGGCGAACGTGACGATAAGGCGAAAGGGCTGCTTCGATGGATATATGGGCTCCTTCCTG  
CCTGATGGCTCCAACCTTTTCGTCGATTGGATTAAAAATAATCACATCAAATCTCTTTTGGTGGTTGGAATATGT  
ACGGACATTTGCGTGCTAGATTTTGTGTGCTCGACTATGTCTGCAAAGAATTTAGGGTTTCTTCATCCCTTAAA  
CGATGTCGTTCTGTACTCTCGAGCTTGTGCTACCTTTGATGTCCCTCTTCATGTTGCTAAAGACACCAACTCGGC  
TCTCCCCATCCTCAGGAGTTCATGCATCATGTAGGCTTGATACATGGCTAAGGAAAGAGGAGCAATCATAGCC  
AACAAAATATCACTAGGAACCAACATATAAACCCACCATGCTTAAGTAGTAGTTGCCCCCTCTCTAATGCCAAAC  
GTTAAAGAATTGTAACCAAATAAATAAACTATGATCTTGATCTTCAAACGTTGAGTATGGAACCTCCCGCTAAA  
AGAAGAGGACCTATAGTCTTCTCGTGAACGGTATCTATAGACATATTATACAGTGAGTTATCATTGCCACAAA  
AATGATGTATATGTTGTAACTATAAGACACTCTATTTTCATATGTGTACCACATCTCCATAACTTAGTAAACGCT  
AAGTTTTTTTTTTTATAAAAAA

>trans\_c\_1614 XM\_002867786|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata proton-dependent oligopeptide  
transport family protein, mRNA

TAAAGCAGCAGTAATTACCTCGTCTTCACTCAAATGGCTTCTTTGTTTCGTCGAGCAAGGCGCCGATGAGAAC  
CAACATTTCTACATTCCACATTCTCCCGCAAGCATGTCAAGCTTCGACATTCTCAGTGTGCGAGCGTTCATCTT  
CATTTACCGTAGAGTAATCGATCCAGTCTTTGCTCGATTAACTAAATCAAGCCTCACAGAGCTTCAAAGAATGG  
GGATCGGCCTCGTAATTGCAATCTGCGCCATGGTATCCGCCGGAAGTGTAGAGATTTTCCGACTAAAACACGC  
CAACAAAGACTGCCTACATTGTGACGATTCGAGCTCCTTAAGCATTTTCTGGCAGATTCCGCAATATGTATTGA  
TCGGAGCATCAGAAGTTTTTCATGTACGTGGCCAACTGGAATTTTCAACAGTCAGGCACCTGACGGACTCAA  
AAGCCTCGGTAGCGCCCTATGTATGACCTCAATTCCTTCGGTAACTACGTCAGCAGCTTGCTGGTGACGATTG  
TGATGAAGATATCGGCGACCGATAACATGCCGGGATGGATCCCCGGAACCTAAACAAAGGTCATTTAGACC

GATTTTACTTCTCTCGGCCGCCCTCACGGCAGCGGATCTCGCCGTCTACATCCTTTGCGCCAAATGGTACAAA  
TACATCAAGTTCGAGAGTCGTGAGGCCGACGCCACCACCGCCGTCTAGGGTTTGCTCTGCTCCGGTAGAAGAA  
TG TAGTTGCCAGTGTGTATCCATTCCATGCCGTTTGATCCAATTTCAATGGTCTATGATCGTATTTTTAGATTGG  
AAGAAAAATAAATAAATAAGTAAATGGTTTCGAGGTGGCTCGATTAAGATCGTTGAAATTGGACCGGTCAA  
TCGCGGCCGTAGATATGAAGGAAAAGAAGACCCACCCGGTGAAGGATAATCGGCCGGTTGATGCAATGAA  
ACTTGAGAGATGATTCCGGTTGCTTCTCCAGTTGAGCGGTGTAATGAGAGATTTTACTTGACAAAGGGGGGT  
GTGTTGAGTACAACTTTTATTCATGTCCCTTTTATTTAAATTCATGTT

>trans\_c\_1615 AY104829|Zea mays PCO101760 mRNA sequence

TTTCACTGAAGGAAGTTCCAAAAGATGGCTGCTTTTGCTCACTACCCCTAACTTCATCTTCTTTACATTCAGTT  
GTCCAATTCTCACCTCTTGATTCTCCTCAAAAGTTGTATATGACCCAAGTTCCTATTGCTTCACAGTCAGATCA  
ATCGGATTTGGAACCAAAATTTTTCTCTCAGACCAACCCAAGGAGTTTGATAATTCTTGGGGCAGCAACAA  
AACAAGCAAAAACACCAGCTGAAGAGGATTGGAAGGTGAAGAGAGAACTTCTGCTGCAGAAAAGGGTAAGA  
AGTGTGGATGCTAATGAAGCTCTGCGCCTTCAAAGGAAAATAACTTTGTGATTCTTGACGTCAGGCCAGAAG  
CAGAATTCAAAGAGGGCCATCCACCAGGTGCCATTAATGTGCAAATCTACAGGCTTATAAAGGAGTGGACAG  
CATGGGACATAGCCAGGAGAGCTGCATTTGCATTTTTGGCATCTTTGCGGGTACCGAAGAAAACCCAGAATT  
CTTGCAAAGTGTAGAATCTCAAATTGATAAAAATGCCAAAATAATAGTAGCATGCTCATCAGGTGGAACAATG  
AAACCTACCCAGAATCTTCCAGAAGGTCAACAATCAAGGTCACTGATAGCAGCCTACTTGTTGGTTCTGAATG  
GCTACGCCAACGTATTTCACTTAGAAGGTGGTCTCTACAATTGGTTCAAAGAAGGATTGCCTGTAGTTTCAGA  
AGAATAAGGTGGGCTCTACAAGATCTTCGGAAGTAAAATAGCTTATCATTTTTGGAGGGTGTCCATTAAAGAG  
CAGAGCCAAGTTCGTCGGAATGTTTGGTTGGGTTGAGTATTAGCCAATGCTGTATCACCAGATTTCAATCTTA  
CCATTTGTGTGCTGAATCAGGATTCATTCTAAATGTACAATTATAAGTTGGACAGTGTAGAAGACTAGATTTG  
TTTCATAATGGAAATACTACCCACTTTCCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1616 AF386936|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g19180; T20K24.20) mRNA,  
partial cds

TCTCTTCTCACACCCATAGCTGAAGAGATAGAGGGAAAAAGGAGTAGTTCTTCGATTTATAGAGCTCAAAGTT  
CGTCTGCTGTTCTTCGCATGGCCCCGGGTTTTTTCTCTTCCAGTCTTTCATCTCCTCCAAGTTTCAATTATCGG  
TTTTGATTCCGTCTTCTTTACTCTCGGTCATCGGAACCGCTCTACACGGTCCGGCAAGGTCAAATTCATCGAA  
ATTGATCTCGAGTCTTCTCTTTCGGGGCTGATTCAGAGATTCTTGCTATTAGGAAGCTCGACGACTTTGTACA  
GAGGATTATTGTTGAGCGATCCACTCCTGATTGGCTTCCGTTTGTGCCGGTTCGTCTTTTTGGGTTCTCCACG  
CCGTAACAAACCACGCAGGGTTGTCGACCTATTTGATAAATTGGTTGAACCGATCGCTAAAGAGGACTCCCT  
TCCCTTGCTAACGCCCCTGGTTGGCCCTGCTTAGATTTTTTCGCCAAAGAATCTATCTCTGGACCAACTCGATTA  
GCTCCAGTAGATACCGAGTTGGAAACTTCAAACGAGTTGGAGATTGACGTGCAGACACCAACAAGTAAAGAT  
AACTCAAATCAGCCAGAGGATTGAGAAAGAAGAATCTCATACCTCATCCACTAACGGAGTTGGTTGGGAGCG  
TTAGATGGCTGTCAGAGATTTGAGAGACCGAACGGGGTGGAAAGTGATGGTGATGAGAGGTTCGGAGAGAA  
ATAGGGGGCTCTACAGACAGTTCCAGTTTGGATGCTGTGGTATTCACTTCCATTTGCTTCGTCTAAACTGCCCT  
GTCTACTTGAAGCCCACTCTGCACCCCTTCCCCCAAACTAATGGTTGTTTATGCTTCGTTGTCCTGGGACAAAAT  
TCACCAGCTTGTTATTTAAATGAGGTGAATTATCAAGTTGTCAACCACTGTTCTGTCAAATCTATGCACAGCTCA  
ATAAAAGAAATCTCCCTGTGTCTGTGTAAAGTAACTGATAAATCGTTCTCCATTTCAAGTGGTTGAAGATCAA  
TCTAAGCTCGTAGTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1617 NM\_001066774|Oryza sativa Japonica Group Os07g0608100 (Os07g0608100)  
mRNA, complete cds

GTACTTAAAAAAAAAATGTTTTTAAACAAGAAAAGAAAAAGAATCCCTTCAAGGGATTAAACGTCGGCGTTTT  
ATGAGTAAACAGGCTGACAGTCACCTTGTCTCCCTCGCTATGCACTGCCACTGCGTGGATTAGAGCATTTCCTC  
AGTCTACAACACAACAATGCTTCACTCTCTCATTTCCCCTTCCCAATCCTCCACTTTCCCCTTCCATTTTCACTCTC  
TCAATTCCATTAATCTTCTTCTCCCCAAAACCTTTTCCCTGGTTTTCCATCCCACCCCAAAAATGCCCTCAGAAC  
CTTCCTCCATTTCCACAAAACAAGATCCAACAAATCCCTCTCCAACACCTTCAATTCTCCTTCTCCACTCGCGCT  
TCTCTCATCGAAGCTCCTATTTTGTGGGCTGGTAGACTTTGCATCTTCTATGCCCTTCTAAGAGCTGGTCTTGCT  
GGATCTCAATCCAACCCCACTTATCTCTGATTTGGACTTATCCTATGGTGGTAGTTCTGATGGAGAAAGCAGCAG  
TGATTTGGGGTTTTCTAAATGGTTGGAGAGTGTAAGAGGAAAGCCAGTGGATGAAGCAGTTGATAAAAGAAA  
ACTAGTGAGCAAATGGCATCTACCACAAAGGGAACCCTCAGAAGGAACTATCGAGTGCCATCTAAATCTGAA  
GGACGGCGTCTTCTTAAAGCCATTGCATCCCTCCTTTCTGACGACGACCACTTCGTTGATGCCACATCCCACAA  
GGGTTGCCAAATCAGGAGGGAAAGTGCTCATGGGGAGAGTGTTTGTGCAACAATGTGAGAGCTTTGTTTGA  
TGAGCTTCCAACCCACATCTTATTGTGGAATAACTCCATTCCCTGCTGGGCCTCTCAATGAAAATGATTACA  
CAAAAGCTGAGAACTAGAGAGAGTGCTCAGATCTGGTCCCTCTGTTTGAGATATTTCTTAATCTCTTTGTATT  
ATTGTATCTCAACTTCTTTGTACAGTGTTTGAAAGTTGAAACTAATCCATCTCTAATCTTGATAGGGACGTTGCT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1618 EU824098|Populus tremula isolate swl255-63E S-adenosylmethionine-dependent  
methyltransferase gene, partial cds

AGGCTTCGGCGTTTAGCAGTATCTATTGGGCATTAACCATGTTGGAAAATGAAGCTAATCCAACATCAGCAA  
GTCAACTGGCCTGCCTCGGAAGCGGTTCTATCGTGCAAGAGCACACAGCAACCCTCTAAGTGACTCTCACTTC  
CCAGTACCAATCTCCCCAGTGAAGTTGATTATCCCTTCATTACCCTCAATTATCCCTTCAAATGATCAGCGA  
GATAAAAACAAAAGATTGAATTCGCTGATATTGGCTGTGGTTTTGGAGGCCTTTTGATTAGTCTTCGACCCT  
TTTCCCAGAAACCCTGATGATTGGAATGGAACCTCGGGATAAAGTAACAGAGTATGTAAAGCAACGGATCTTA  
GCTTTGAGAGTAGCAAATCCTGGCCAATACCAAAACATTTCACTAGATCGAACAAATCCATGAAGTACATTC  
CAAACACTTTTGAAAAAGCACAACTTCAAAAATGTTTTCTTGTTCCAGACCCTCATTTCAAGGAGAAGAAT  
CATCGCCGACGCGTAATCAGTCCACATTTGCTTGATGAGTATGCATATGCTCTGAGAGTTGGTGGGATTATAT  
ACACAATCACTGATGTGGAAGAGCTTGGAGAGTGGATGAAGACTTGTCTAGAGAACCACCCTTTGTTGGAAG  
CTCTAACATCAGAAGAGCTCGAGGCCGACCCAGCCGTGAAGCTCTTAAGTTCTGCAACTGAAGAAGGACAAA  
AGGTTGCAAGGAATGAGGGACAGACCTTTCAGGCTGTTTATAGACGCATTAGTGCAGCACCATGATTGGAAG  
GTTGAGCTTTCTTGTTTCGTTTAATTGAGGCAATGAGTTGTTTCCCTTGAGCTTATGCATACATCCTAAGTCTCT  
TCTTTGATTCTATTTTCCGCTCTTGTAAGAGATGCATCTTAGAAATTTTATCTTATTTACTTCAGGTGTGAGCGA  
AGCTGAGAATTTTGGACCTAATTTGGCATTTCAAATCTGTTCAATATTATTTTATTTTCTCCTTTTTAACAAAA  
AAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1619 NM\_001063157|Oryza sativa Japonica Group Os06g0116600 (Os06g0116600)  
mRNA, complete cds

ATCCACATTGACTTTGATTAACCCCTTCTCTCTCGCCGGCTATGGGGTTATCCCTTCTACGAGCTATGGCGT  
CTGCCTCCGTCTCCACCTCCGCCGCCCGCCTCTCTGTTCTCCAGACGCCTCTTCTCCTCCTCATCTACTCTTAC  
ACATCCTCCTTCCCCTTCTTCTTCACTCTCCGCCGTCGATCTCTCCCTCTGCTTTCCCATGCCGTTGATCTATCC  
CTTCCTCCTCCAGGTCCACCTCGTTTCGTTGCCTCTCCTCTAGGCCTGGTAACTCCTCTTACTCTCCTCTTAACTCT  
AATTCCAACCTCAGTGAACGTCCTCCCACTGAGATGGCGCCTCTTTCCCTGGATGTGATTACGAGCACTGGCT  
CATTGTCATGGACAAACCTGGTGGTGAGGGTGCCACTAAGCAGCAGATGATTGATTGCTATATCCAGACTCTT  
GCTAAAGTTGTTGGCAGTGAAGAGGAAGCAAAGAAGAGGATTTACAATGTTTCTTGCGAGAGGTATTTTGGG  
TTTGGGTGTGAGTTGGATGAAGAGACCTCCAACAAGCTCGAAGGATTGCCAGGTGTTCTGTTTGTCTTCTG



ATTCTTATGTCGACCCAGAGTATAAAGACTATGGGGCTGAGTTGTTGGTGAATGGAGAGATTGTTCAAAGGTC  
ACCAGAGAGACAGAGAAGAGTGCAGCCACAGCCTCAGAGAGCTAATGATAGACCAAAATATACCGACAGGA  
CCCGCTATGTGCGACGCAGAGAGAATATGACTTGATGCACGTCAGACGTTGAGGAAATGTGCACATATGACT  
AAAGTGGAAGGGAATGTTTAATATCTGGGAAGGCAAAATGGACAACCTTATACAATTAGAAACATTAAACTG  
AAAGTTGAAGTAATTTGCTACGTGAAAGAGTCAGTGTTCCGTAGATGTTAACTTTTGCTGATGAACACATA  
AATGTGTATGTGAGCTTGTTCAGTCTACCTAGTTGATGTTTTATCGACTTTGGTCTAGTTGTAAACTGTGC  
ACGTTTAAATTTTATAAGAACAATTTAGTTATTCTTTGGC

>trans\_c\_1620 NM\_101723|Arabidopsis thaliana PDCB3 (PLASMODESMATA CALLOSE-BINDING  
PROTEIN 3); callose binding / polysaccharide binding (PDCB3) mRNA, complete cds

TTCTCACTAGAAATCTCCATTGTCCATAATTCTCTTTTTTCTCTCTTTCTCCGGTTTTGCCACTTCTCTTAA  
ATCCACTATTCTTCTCTTCTCTCATCTATCCTCTCTCAGAATCTTTCCTCAACCATGGCGGTTCTCTTGCTCTGTTA  
TCTGATATTCTTGGCCTTCACTTCCCATTCAAGTGCCACTTATTGCATTTGTAAAGACGGACTGAGTGATCAAG  
CCCTTCAGAAAAGTTTGGATTATGCTTGTGGAGCTGGAGCTGATTGTAGTCAAATCCTTCAAAATGGCCCTTGT  
TTTCAACCCAATACTGTGAAAGATCATTGCAGTTATGCTGTCAATAGCTATTTTCAAAGAAAGGGTCAGGTTCA  
AGGGAGTTGTGATTTTTCAGGCACTGCCATGCCTAGCCAATCTCCTCCTGCCGTAGCTTCTGGGTGTGTTTATC  
CTTCAGTCCCAGTTTTCACAGGTACCCCGACTACCACCACCCCATCAACCACTCCATCAACCACCATTCCCGGCA  
CGACGCCAGGAACCACAACAAACCCATCAACAACACCACCGTCGACAACAACCTCCGGGCACAACCTCCCCTTC  
AGTGTTTCGGGGGTGGAATAAGCCCAACAGGCGGCGTCGGTCTTGGTGGGAATACTATGGATGGCAGTGCTG  
CTGCAGGTCTCAATGCAGCAGCCTCTAACCTGTTCTTCTCACCGCTACTGTGACATTTTGGTTTTCAATGTTCT  
GTTAGGTTAACCATGACGGAGGCCATTAGTTGATTTCTTGGATGGATGGATGAAAGGAAAAGCTAGGAAGG  
TTGTTTTCTAATGTCCTTCGATGTGGAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGGGTG  
GAGAATTTGATTCTTATTGAGTGGTGGTATGATTTTCTACTAGAATGGAACCTAATCCTCTTAGATATTTTCA  
CTTTTGTGTATCTAATAGAGGCTGTATTTTCTTAATTTAATGGGACTTTGTACCCACTAATCAATAATTCTGCTC  
TGTTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1621 XM\_002325820|Populus trichocarpa vitamin-b12 independent methionine  
synthase, 5-methyltetrahydropteroyltriglutamate-homocysteine (MS4), mRNA

ATCTCGTTGCGTGAAGCCTCCAATCATCTATGGTGACGTGAGCCGCCCAAAAGCCATGACCGTCTTCTGGTCTA  
CCATGGCTCAGAGCATGACAGCCCGCCAATGAAGGGAATGCTCACTGGCCCCGTCAACATTCTCAACTGGTC  
TTTTGTTAGAGTCGACCAGCCAAGATTCGAAACATGCTACCAGATTGCTTTGGCCATCAAGGATGAGGTGAG  
GATCTCGAGAAGGCTGGCATTAAATGTCATCCAAATTGATGAGGCTGCTTTAAGAGAAGGATTACCTCTAAGGA  
AGTCTGAGCATGCTTTCTACTTGGATTGGTCTGTTCACTCTTTCGTATCACAACTGTGGTGTCCAAGACACA  
ACTCAGATTCACACTCACATGTGCTACTCCAATTCAATGACATCATCCAATCCATCATTGATATGGATGCCGAT  
GTGATCACCATCGAGAACTCTCGCTCCGACGAGAAGCTCTTGTCAGTTTTCCGCGAGGGAGTCAAGTATGGTG  
CTGGAATTGGCCCCGGTGTGTACGACATTCACTCCCCTAGAATACCATCAACAGAAGAGATCGCAGACAGAAT  
CAACAAGATGCTTGCAGTGCTCGAAACCAACATCTTGTTGGTCAATCCAGACTGTGGTCTCAAACTCGCAAG  
TACGCCGAGGTGAATCCTGCTCTGAAGAACATGGTTGCTGCCGCAAAGCTCCTCCGAACCTCAACTCGCCAGTG  
CCAATGAATCAGTGGCCGAGGTTTATGAAGATTGAAGCAACATTATCATTCCCTTATTCCAGTTATCCAGAA  
AGAAGAGTATGTCTGTTTGTCTCCAATAACCGAGTAGCCGACATATTTAGTAGCCGTAGTTCCATCTTTTGAG  
CATTTTTTACAAAAAAGATTTGCATTTGATTTGGTTTTGATTTGAAGTTGTTGTAGTAAGCTTTGTTGCTT  
CTTTTTTCAAGAGGCACCAAACTGCGATCTGTATCCAATTAAATGAAAAAGAAGACAGTATTCACAGTTTGT  
GCAATCCTTCAACAGCTAAAACATTTGTGAAAAGCTAATTCT

>trans\_c\_1622 NM\_001064709|Oryza sativa Japonica Group Os06g0642900 (Os06g0642900)  
mRNA, complete cds

TCCCCATTTGTTGTTAATGTTAATGCCTTAGAAAAGGGGAAAACAGAGATTGATAAAACCTAACCCCAAAGA  
AATCAAATTCTTTTTCTTCCACCTCTTTCCCAAGCAACCTCCCAAAACCTAATCTTTCTATTTTTTCTTTCCC  
TTTCTTCTGTTTCATACTCTCGGATTGGAATTTGTTGTTTGTCTCCGGCCGCGACGAAGGCCTCTTAGGAATTA  
GCTTCTGCAAGCTACAACCCGGAGACCATGTCTGCTGTGGTGTGCGGTTCCAAGAGATCTTTCTTTGAAGAAC  
TCCCACCTTCGCCTCCATTGCCAAGCGCCACCGTTGCTCTACTTCTCCTATTAGATTGCTGCTCCCTCTCATAT  
TGATCACTTACAGCATTTGTTCCCTCAGATGGACCATCAGCTTCTTGTGAGAGCCCTGAAGAATGTGGCAATG  
ACTTGGATGCTGCTATCAGAAGTCTGAGTGACCTGTGTTGGGGTCTGCTGTTGAAAATCCTGTTGCTTCTGCT  
GAACCAGAGACAAATTTGGATCAAGGTTCAATTGCTAAGGACGGAGAGGCTGCTGCTTCTGAGAATTCTTCAA  
GCACTGTTTCTTGTATGGTAGAAAATGGATCGACTTGTTTGTGGCGAAATGACGAATGCTACCACAGTAGC  
TGATGCTAAGACTCGTGCAGCAAGGGCATTAGAGGCTTTAGAGAACTCAATTACTGCTCGTGTTAGTGTTGAT  
GCTGCACAAAACCTTTCACAAGGAAAATATGCAACTAAAGGAACAAATTGAAGTACTTCTACGAGAAAATACAA  
TTCTGAAGCGAGCAGTTGCTATACAACATGAACGCCAGAAAGAATTTGAGGATAAAAACTAGAGTTGCAGC  
ACCTTAAACAGTTGTTAGCTCAATATCAAGAGCAGCTCAGAACCTTAGAGATAACAATTATGCATTGACAAT  
GCATTTGAAAACAGCTCAACAAAGCACCTCGATTCCAGGNCCGCTCCATCCCGATGTCTTCTAGCAAACAAGA  
AAGTAAAGATCTAAAATATTGCTGGCAGAATGATCTAAA

>trans\_c\_1623 NM\_001112231|Zea mays acidic ribosomal protein P1a (arpp1a),  
mRNA gb|U62752.1|ZMU62752 Zea mays acidic ribosomal protein P1a (rpp1a) mRNA, complete  
cds

AGAACGTCCCTTGAGCGCAGCGAAGAACGAAGAACGAAGAACGAAGAACGTCCACTTCAATCTGT  
GAAAAATGTCGACCGGAGAAATTGCCTGCTCTACGCTGCTCTCATCCTCTACGATGACAATATCCCTATTACC  
GCCGAAAAGATTGCTACGCTTGTAAGGCAGCTAATGTTAGCGATGTGGAGTCTTACTGGTACAGTCTCTTTG  
CTAAGCTGGCTGAGAAGCGTAACATTGGAGATTGATCCTCAATGTTGGGGCTGGTGGCGGTGCTGCAGTCG  
CTGCTGCTGTCCCAGCTGGCGGAGCTGCTGCTGGAGGTGCTGCCGCAGCTGCTCCTCCACCGGAAGAGAAAA  
AGGAAGAACCAAGGAAGAGAGTGACGATGATATGGGATTCAGTTTGTGTTGATTAGGTTAAGATTTGGCATC  
GCATGTTTTGTTCTAGGTTTATTATCTCTTTTTTAATGCCCCGAGGAGGCGATTGTTATTTTACAGATACGTAGTT  
TTGAACGTCCGTAACAAATTTGCGATAAGTTTTGATTGAAATGTGATTGATTTCATCTTTCTGTCTAATATAT  
CTTATAATTATATGTCGTATTCCCTCTCGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTTTACCCCCCCC  
CCCCGGGGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCCCAAGGGGGGTTTTAAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTT  
TAAACCCGGGGGGGGGAAACCCGGGGTTCCCCCATTTTTTCCCCTTGAAACCCCCCCCCCTTCCCCCGG  
GGGGGAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCCACCCCCCCCCCAATTTGGCCCCCTAAGGGGGAAAGGGGGC  
CCCCCCTGGACCCCCCTTTAGGCGGGGGGGGGGGGGGTTTCCCCCAGGGG

>trans\_c\_1624 XM\_002888945|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata galactosyltransferase family  
protein, mRNA

TTGAAGGGGGATTGGAGTGGAAGCCAGTGATTGAAATGAACACATGTTACAGGATGCAGTGGGGCTCGGC  
CCATCGCTGCGAAGGCTGGAAGTCCAAGGCCAACGAAGATGCAGTCGATGGCCAGGTGAAGTGCGAAAAGT  
GGATCAGAGATGACGAGGGGAACGAAGAGCAGTCAAAGGCTACATGGTGGTTAAACCGACTGATTGGTCGA  
ACAAAAAGAAATGGATATAGACTGGCCTTATCCCTTTGCTGAAGACAAGCTCTTGTCTTAACACTTAGCGCAG  
GATTTGAAGGTTACCATGTGAATGTTGATGGGAAACATATTGTTTCTTCCCTTATCGCACTGGTTTTGCTCTCG

AAGACGCCACTGGATTATCTGTCATTGGGGACATTGATGTCCAGTCCGTGTTGGCTGCTTCTTTGCCACGATCA  
CATCCTAGTTTTGCTCCTCAGCAGCACCTCGAGATGTCAACGAGATGGCAAGCACCACTCTTCTGATGGCGA  
GGTAGATCTTTTTATTTGGTATCCTTTCTGCTGCCAACCATTTTGTGAACGGATGGCAGTAAGGAAGTCGTGG  
ATGCGACATAAACTCATAAGGTCGTCAAAGATTGTTGCTCGATTTTTGTAGCACTTCATGCAAGAAAGGAAG  
TAAATGTTGAGTTGAAGAAAGAAGCTGAGTTTTTTGGGGATATAGTTATAGTGCCTTACATGGATAACTACGA  
CCTTGTGGTTTTGAAAAGTGTGGCCATCTGTGAACATGGGGTTCATGCGGTGCCTGCAAATACATTATGAAA  
TGTGATGACGATACGTTTGTAAAAGTGGATTCAATCATGAATGAAATTAAGAGAGTATCTGGCACCGGGAGC  
GTGTACATTGGCAACATAAATTACTACCACAAGCCCCTGCGCTACGGAAAATGGGCCGTACGTATGAGGAAT  
GGCCAGAAGAAGATTATCCGCCTTACGCAAATGGACCGGGGTACATAGTGTCTGATATTGCTCAGTTTGT  
CACATCAGACTTCGAGAGACGTAAATTGAGGTTATTTAAGATGGGGGATGT

>trans\_c\_1625 GQ144323|Morus alba var. multicaulis ZLW (zlw1) mRNA, partial cds

CACAAGCACCATCGCAGCAACAATTTCAAAGTCAGCCTCAGCCACATCCCCAACAGCAATATCAGCCTCAGCC  
ACATCCCCAACACAATATCGGCCTCAGCCTCAGCCACAACAACAATTCGAACCTCAGCCACAACAACAATATC  
AACCACAGCAACGATTTCATCTCAGCCCCAGTCACATCTGCAGCAGCAATATCATCCACAGTATGCTCAATAT  
TCTTCAGGCTATTACCCTCCCCACCTTGGGCAGGTTCTTCTCTTAATGCCAACCACCAAAGCAATGCCTCTGTT  
TCGAATATGGGTTATCTTCGTGGGAAGGAACCTGTACTGTCTACCTCGTCATTGCCTGCTAGACCTTTGCAGCA  
TCTTAATTCATTTCCCTTGAGAGGAAATGATGAGTTAGCTACACGTGGAGGAGGAGACTCGTGGGCAGCAGG  
TGCCCTAGGAACTCAACGCCTTCAACAACACAAAAGCCATTATTCCATCGTACAGACTGTTTGAGGATCTAA  
ATGTTTTTGGCAGTACAGATCCAAGATTGAAGGTGACTAGCAGTAACGCAACCTCTAGCTTAGCCGGAAGTTC  
TGGTCAAAGTATGGTGGGTGGGAGAAAGTGAAAATAGCCTCCTCATTATGTAGCTGAAGAAATTTCCCGTGTCT  
AATATAAAAGTATCTTTTTCATCTTTGTGACGTATTTAAACAGATTGGCAGAACATAGTTTTCATGTGATCATT  
GATTATGGAATTGAAGAAAAAATGTGAGTTGTAAATTTTGGTCTATTTCGTAAACGGTCTACTTTGGTCGTGCT  
TTTCGGGCAGTGCATGGAAGATGTAAAAACCAACAGGACAACAATCTTTTGGTGATCCTGACATTTCACCA  
TGGAGGTAAGCTCTCTAGGTTTTCACTTTCTTCTACTTTGCTCTGTATGATATATAGTCAGTCTCAAGATCAGAA  
AAATTAATGTGCAATTGATTATATTTTCATGGTTGTATAATAATTACATTTTACTACTTTTTCGTAAATTTTTTAG  
TTTTCCAAAAA

>trans\_c\_1626 AL161583|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 79

AGACCTTTCACCGTCCGCGTGTTCCTCCTTTCATTCTTCACATTTTCCTTAACCTTCCGGCGACTTTTCCGGCCA  
CTCCAAACTCTGTGGAAGCTTATCGTGTTTGCCGGAGTACCTTAATGATGCCAATTCTGTAGAAGTAGCTATGC  
TATTGACTGAAGCAAAAGATAACCAACTCCGTGAGAGCAATAACCAGAAGGTTACCCACAACCCATGGAAG  
AGGCAATGAACCAGAAACCTGAAGCTATGGAAGCCCTTATATCAAAGCTTTTTGTCAACATCTCTTCTTTAAG  
TCTGCTTATATCCAGCTCCAAGGTGCCCATACACCCTATGATCCTGACAAAATTCAAGCTGCAGACAAACTTGT  
AATTTCTGAGCTGAAGAACTATCTGAGCTCAAACACTTTTATCGAGAAAACAATCCCAAACCGGTATGTGTTT  
CACCGCAAGACTCACGGCTAGCTGCAGAGATTCAAGAACAACAAGCCTTCTGAAAACCTATGAGGTTATGGT  
CAAGAAATTTAGTCTGAAATTCAGAACAAGATTCTGAGATTCTTCAGTTGCAGCAGCAGATTGAAGAGGCA  
AACCAGAAGAAAGTAAACTCGAAAAGAACCTCAAGCTTCGAGGGCTGTCAATGAAAGAATCAGAAGGTTCT  
GCAGATGAAAACGGAAATTTCCCTGTGGACTTGACCCCTGATCTGTTTACATCAGTCGTGGAAGGCGCTTTTA  
AGGCCATTCACGATTTCTCAAGCCTTTGATTAACATGATGAAAGCAGCTGGCTGGGACCTGGATGCTGCTGC  
TAACTCAGTTGAACCGAACGTGGTCTATGCAAAAAGAGCTCACAAGAAATATGCATTTGAGTCCACATATGC  
CAGAGAATGTTTTGTGGCTTTCAGCACGAACTTTCTCAATCAAAGTAGACGATCTTGCACTCACAAAAGAGG  
ATTTCTCCGGCAATTTATTTTATTGAAGGACATGGATCCATTAGACATGCTAGGCCAAAACCCAGATTCCATT  
TTTGGTAAATTTGTAGAAGCAAATACCTACTAGTGGTTCACC

>trans\_c\_1627 NM\_127307|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT2G17530) mRNA, complete cds

AACCTTGCAAACCTGTGATTGTTTTACAAGGAACTTCCCCTTTCTCTCTTTTCCTTCTATCTTCTTCTTTCTTC  
GTCTTTCCAATCCAAACCCATTAAAGGAATCCACCTAGAAGAGAGATTCTTACCTTACCCAGATCGACCCCTTTTC  
AAACCCTGTTTCGGATCGGATCGGATCGTTTTCGATCTGAGCAATTTTCGGATTGTAATATGTCGTGTTTCATCTTC  
ATCTGGGTCTGAGGATGATGAGGGAATCGATTCTTACAGGAAAGGAGGGTACCATGCTGTGAGGATCGGCG  
ATCATTTTCGCCGGTGGCCGTTATGTTGCTCAGAGGAAGCTCGGCTGGGGTCAATTCTCCACCGTCTGGCTCGC  
TTATGATACTCGTACCTCCAAATATGTATCACTTAAAATCCAGAAAAAGTGCTCCCCAATTTGCTGAAGCTGCAC  
TTCATGAAATTGAAGTTCTTTTCGGCAATTTTCAGATAGTGATCCATCAAGCTCCAAGTGCATTGTGCAACTGATC  
GATCATTTTAAGCATGCAGGGCCAAACGGGCAACATCTGTGTATGGTTCTCGAATTCCTTGGCGATAGTTTACT  
TCGATTGATCAAGTATAACCGTTATAGAGTTCTTGAGTTGAATAAAGTCAGGGAGATCTGCAATGTATTTTG  
GTTGCTCTGGACTATTTGCATAGAGAACTTAGTATTATCCACACTGATCTGAAACCTGAAAATATTCTTCTATTA  
TCCACCATTGATCCTACCAAAGATCCTGTGAGGTCTGGACAGGCTCCTATTCTTGAAAGGCCTGAGGGGAATC  
CAAATGGTGGAGCAACCATGAATATTATTGAGAAGAAGTTAAAGAGAAGAGCAAGGAGAGCAGTCTCTAGG  
ATCTCTGAAAGGAGAGTTTCTATGGGGGGAGCAACCCCAAAGCCTGAAGATAGAAAAGTAGATGGTATTGAT  
CTAAGGTGCAAGATTGTAGATTTTGGTAATGCATGTTGGGCAGATAGGCAGTTTATGGGAGAAATCCCAACA  
AGACAGTACAGAGCTCCTAAGTCATACTGCAATCTGGTTATTC

>trans\_c\_1628 BT015803|Arabidopsis thaliana At1g55535 gene, complete cds

AACCTTTTCAGAACTGATTCTTCTTTCATTAGATTACTCCCTCGTCCTCGCTGCATCGCGCTTGAACCTCGTCTTAC  
TCGCTCATGAATGATTTGATCATACGGCGTTCTTGCGGTCTAGCAAAAAGAAACAAAGAAAAGAGAAAATTCGA  
CATCGAGCGGCCAACAGGAGCGGTTAAGAGGTTAGGACGGCTCGTTGGTGGGGTTAGGTGGATTTTTCAAAT  
GGTATATCATGCTTTGCAATTCATTGAGAGATCGACTTCGGCCATGGCTTCGTGATTATGATAGGCTTCAGTCT  
TTCGCCGTCATTCTCATTTATATTCAGATCGGGTGCGCATTGATTGGATCCCTAGGGGCATTATACAATGGTGT  
TTTGCTTATAAATTTGGCAATCGCATTGTTGCTTTGGTAGCCATAGAGAGCAGCAGTCAGAGTCTTGGTCGTA  
CATATGCTGTTCTCCTCTTCTCTGCCATTTTCTCGACGTCTTCTGGTTTATTCTTTTCGCCTACGACACATGGAA  
CATCTCATCCGAGCAATATGGACCCCTTTTACCTTTTCAGTGAAGCTTACTCTGGCAATGCAGATTATTGGGTT  
TTCTGTTAGGCTATCATCTTCTCTACTGTGGATTCAAATTTACAGGTTGGGGATTTCATACATGGAAACTTCAGT  
TCCCCGAGAGGCAGACTACGATCTGAGAAATAGTTTTCTTAGCCCGGCTACTCCTGTTGTAGTTAGACAACCAT  
CAGGTTCTGATGACATGATTGGGGGCTCTATCTATGATCCAACTTACTACTCGTCCCTCTTGAAGATGGTCAA  
GATAGTAAATGTTTGTCTGGGATCTCTCATTTTGGTAATGGTGATAATGGGTCTACCTCTGGGCCAGATGTATC  
TCGATCAAAGCTGTCCAGACATTTCCAAGTAGCAGACGGAGACAGGAGACTAGGGATTTCAAATACAAAGGA  
ATACTTGGATAAAATGCATTGTGTGGGGAGCATGTTCCAATAAATGGGTTAGAGATCATGGATTTAATCCATG  
GTGGCCGCTTACCTAAAAAATAGTTTCTACAAGTT

>trans\_c\_1629 NM\_125062|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT5G56790) mRNA, complete cds

AGAAGTTGAGGTCTTAAGTTCTGCCAACATCGAAATGTTGTGATGCTTATTGGCTTTTTTTGGAGGGTGGAA  
GAAGGTTACTTGTATGAATATATTTGCAATGGATCTCTTGATTCCCATCTTTATGGAAGAAATCGTGAACCA  
TTGCAATGGTCGGCACGACAGAAGATTGCAGTCGGGGCTGCTCGAGGATTGAGATACCTTACGAAGAATGT  
AGAGTGGGCTGTATTGTGCACCGTGATATCCGTCCAAACAATATCCTCCTTACTCATGATTTTGAGCCACTAGT  
TGGAGATTTTGGGCTGGCAAGGTGGCAACCGGATGGTGACCTAGCAGTAGAAACCAGAATCCTTGGGAGATT  
TGGCTACCTGGCTCCTGAGTATGCACAGAGTGGCCAAATCACAGAGAAAGCCGATACATACTCATTTGGCGTT  
GTCTTGCTGGAACCTGTGACTGGACGCAAAGCGATTGATTTAAATCGTCCCAAGGGCCAGCAATGCCTCACTG

AATGGGCACGAAACCTGTTGAGGAAAAATGCGATCTCTGAACTAGTTGATCCATCTTTGAGGAACTGTTATTC  
AGATGAGGAAGTTCACCGCATGCTGCAATGTGCTTCCTTGTGCATAAAGCGTGATCCATACGTAAGACCGCGT  
ATGTCTCAGGTGCTTCGGGTGTTGGAGGGCGACATCGTTCTGTAAAGCAGCAGCCATATAGGAAGCCTTGTT  
GGAAAATTTTGCAGAGTTGTAAAAGTATATATATGGTCTGGAATCAAGACACTCACATGGCTAAAGGGGATG  
TTGGAGGAAAGACCAATTTGTCTTCTGAGAGGGTGATTAAAGGAATTCCACTTTGCAGAAAACAGTTTATTTA  
TTTATTTTAAATTTTCATCATCTTAGTGATTATAGCTTTGATTAATGGATTTGGTTGTAATGTAAATAAGAGGAT  
CAAACCTGTTCTTCTGTATCCATAAAAATGTCAAGATTTGGCTTGGGATAGTTCCAAATAAAGTTACTTGTATGA  
TATTGTATGATATATTAATAGGTTGAATATATATGTGTTGGTCTT

>trans\_c\_1630 FJ362593|*Vernicia fordii* 60S ribosomal protein L13A (RPL13aB) mRNA, complete cds

CGCACATGAAAAAGTAGACCCAAGAAGAGAGGCCCTACTAAGATTCAGCCACCCCTCACCTATTAATTGAAAAAC  
CCTAGAGAAACGAAGAAGAAGACGACGACGATAGCCGCGAATATGGTGTCCGGTCCGGTATCTGTGCTAAG  
CGCGTCGTCGTTGACGCCAGGCATCACATGTTGGGAAGGCTCTCTCCATTATCGCCAAAGAGCTTCTCAATG  
GTCAGAAAAGTCGTGGTCCGATGCGAGGAGATCTGCATCTCCGGTGGGTGGTCCGCCAAAAAATGAAGT  
ACATGCGTTTCTTGAGGAAGCGAATGAACACCAAGCCTTCTCACGGCCCCATTCACTTCCGTGCTCCCGCTAAG  
ATCCTTTGGCGCACCATTCTGTGGGATGATTCCCCATAAACATAAGCGTGGTGCGGCGGCGCTTGCGCGTTTGA  
AGGCGTACGAGGGTGTTCTCTCCGTACGATAAGATGAAGAGGATGGTCATCCCTGATGCCCTCAAGGTCTT  
GAGGCTTCAAGCTGGACATAAGTACTGCTTATTGGGAAGACTCTCTTCGGAGGTTGGATGGAACCACTATGAT  
ACCATCAAGGAACTCGAGAGGAAGAGAAAGGAAAGATCCCAGGTTGCATATGAGAGAAAGAAGCAGTTAAA  
TAAGCTGAGGATTAAGGCCGAGAAGGTTGCTGAGGAGAAGCTTGGTCCCCAACTTGAAGTTATTGCTCCTATC  
AAATACTAATTTGTGATTTTGATCTCAGAAACAGAGATACTGAAGAATTGAGTTGCAGTTGAGTTCATTTTTCA  
ATTTTGACAACGTTTATCTCCTTTTAGTAGACCATGAATCATCTCTGTATGCTTCTAGAATTCTTCAGTTTAGTC  
AAGTTTTTGATACCTTTTTGTTATGCATGTCCAGTAGATTCACGATGCCTGTTTTCAACCAAGCAAAAATGTTTT  
GATTCCTTTGCTATGCCTATCGTTGTGTTTAACTCTGCAGTTGATTAAACATGGATTGGCTTGAAAAATTAGTC  
ATTTTCGGTTCGGAACCTTCATGAACTGGATTCTTATAGGCAA

>trans\_c\_1631 NM\_001063966|*Oryza sativa* Japonica Group Os06g0295500 (Os06g0295500)  
mRNA, partial cds

AAATTGTAATTCATATAAGAAGTTTGGATATATGTTTAGTTAAAGGTCTTCAAAGTTTTATAATGTCAAAGC  
AGGGGCAAAGAATGAAGAGGCAACAGTAGTAGCTATAGATACTGAACTGAAAACAGAAAGGATGGAGAA  
GAGATGAACAGTGGTTGGATGAGACCAGGAGATGTTGATTTTGAATGATTGTCGTAACATTCATTGCAGCCG  
TGGCATTCCAAGTAGGAACAAACCCACCGGGCAGTGTATGGCAAGAGGACAAGAATGGCTTTACTGCAGGTA  
AATTGATAATGGCGTCAAATCACCTTCTGAGTACAAAAAATTCATGGCGGGAGTGACATTATGTCTTTCATTT  
TCGTTGATCCAGTTAAGTGTGATGTTATTAGATGGTACCTCAAACTTATTCAGTTAGGAGAATGATTATGTA  
TCTACTGATGATATGTACAATAGCGCCAATGATTTTTCTTTTGGGCCTCTGTTAAAGCTTTGACACCTGATGA  
AAAAATAATGTCTGAGATCACTGCTACCATATGGTCTAGTTTCGGAGTCTATCTTATGAGCCTTCATTAATTCT  
ACTTTACTACCTACTCAAGAAATCTTGAGTTATATCATTTTCCTAATGTGTTTTTATCTTGATTAATTTCTT  
TTAATTCTTAAAAAAAACCTTCAATGTAATTTGTTTAAATTTCTTAAAGTTTCGAGTCGATGAACTTTTCAATGTAA  
TTTGCTTCCTTTAAGTTTTGAGTTAATAAACTTTAATTGTGATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAATATTCAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCCATCCCCCTAAGGGGGCTTAATTAACC  
CCCCCTAGGGGGGCTTTTTTTTAAACCCCGTGTGGGAAA

>trans\_c\_1632 EU395433|Prunus armeniaca cultivar Modesto alcohol dehydrogenase (ADH) mRNA, complete cds

TTCTTCCTTTTTCCCAGGAATTGTAGACCCATTTGCTTTCCAAGATGGAGGGAGCAACCAACAACGTCTTACTT  
TCTTCCGGTGGGGATGAGATCTCCAAGAATCTGGCTCTTCATCTTGCCAGAAGGGGTGCAGATTAGTTTTGA  
TTGGAAATGAGTGTGTTCTTCAGAGCATGAGTAAGATGATAGCGGAATCGTTAAAGGGTGTACTGCCAATTG  
AGGTTGTTGGGTGGACATGGAAGAAGAGAGAGAGGGCGGCTTTTGATGAGGCTGTGAACAGGGCATGCAGT  
GTTTTGGGAACCTTTGGATGCTTTCGTCCATGCTTATTCTTATGAAGGTCCCATACAAGATGCTTTACAACATCT  
GAAGAGGAATTCAAAAAGATTGTTAAGATAAATTTGATGGCCTCATGGTTTCTGATGAAGGCTGTCTGTGCGAA  
GAATGCGAGACCAGAAATCAGGAGGTTCAAGTAATTTCTTAACCACCTTAATTGGTGCTGAGAGGGGATTGTA  
TCCAGGAGGAGCTGCATATGGATCGTGCTCAGCAGGCTTACAGCAGTTAGCTCGAACTTCAGCTCTGGATGTT  
GGAAAGTATAAGATCAGGGTCAATGCAATCGCTCGTGGATTGCACCTGGATGATGGATATCCTGTATCGGTG  
GGCAAGGAACGTGCAAGAAGCTAGTCAAGGATGCAGCTCCGCTAGAAAGATGGCTTGATGTCAAGGATGA  
TTTAGCTTCAACTGTTATTTATCTAATCAGCGATGGGTACCGGTACATGACTGGAACAACCATCTTTGTTGATG  
GGGCACAGTCTCTAGTGAGGCCACGCATGCGCTCATATATGAATCCTTATACGTGGTGGATGGTCAGCCTTT  
GGGAAAGGTGGATGTAGGCCATTGTTGATTCACTCAACCCATTGTGACCGAATAAATTTGAAGTTTGTAGTAA  
GCATGTTTGAGTTGATAGTTTCTCAAATGCCTTTTATCTTGTTCAATTTTCATAGTTGAAGTTATCTTTCTCCAA  
ATTCCAGAGTTTATAAATAGGGATTTCAAAGTGATGATAATTACA

>trans\_c\_1633 AY021178|Oryza sativa microsatellite MRG3503 containing (TA)<sub>20</sub>, closest to marker C1338, genomic sequence

CGAAAAAGTTCATAAACTTTAAATTTAGTATTCAATAAATACCTAAAAGTTCAAGAGAAAAATATAATTTCTCG  
TTGGAGGGGAAAAACAAAATCATATTGAAGATAAAAACCTTGAGAGAACAAAACCGCTATTAACCATCAGATG  
AGTTGACCTAGTCATTATTGAACTAAAAATGAAAAAAGGACTTAGTTGTTATTGAACTAAAAATGAGAAAG  
GACTTAGTATGAAAAAGATAGGTTTCAGCCCTAAGAAATATACCAAATACAAGACACGGATGTGACATAGACC  
CATCGACACATCAACACATCATGACGAACATTGCTCAAATTTATTATTATTCTCATACATACATATATGTCTTA  
GTATATTGAAATTCTCAATGACTTTGTGCAACTAGTTTCTAATACATCTATTTTGCCTAATAAATGTTGATA  
TGTGTCTAATTAATATGCATCCGACACAAACAACCTAGCCAACTAAAGTGTTTGTACATTTTAGATTCAAAC  
TATGATGGTTACACGTTTAAGTTTAAATCCTTGGAATTCATGTACACATACATGTATTAATAATCTTGTTAT  
TGAAGAGTTGGTTGTGAGATTAGTCAAAGACCCCTAAGTTGGCTCACACACGAGTACATTTAAGAAAAATGAAA  
TAGTTATTAACATGTTTAAGTGATAGTTTGATGCAACTTTGCAGATGTAAGGGAGGTATGATAAATGAAGAT  
CCTCGAAACCGATCAATGGAACGACGAGGAGTTGTGGCCGATTGGAATGGGAAGAAGATTTATGATCTACAC  
AATCTCAAGGAAAGTGATATAGTGATATCTATCTATGGCCATTTTTTTTTTGCTACTTTGAAGGTTTACTATT  
GGGATTAGGTCATAGATAGCTTGACAAGGTGTTGTCGTAATCTCTTCCAAATGTAAAGGGGAGAATAGTTGAT  
GTAGTATTATTGCTTCTCATTCTCATCTGAATCTTAATTTTTCCCCCAAAGCCCAATAAACTATTGCTTATTC  
TTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1634 AY169405|Glycine max ferrous ion membrane transport protein DMT1 (DMT1) mRNA, complete cds

GGCACCTATGCAGGACAGTTTATAATGAGTGGATTCTTGAACCTGAAGTTGAAAAATGGCTAAGAGCTTTGA  
TAACTCGAAGCTTTGCAATCGTGCCCACTATGATTGTTGCTCTTGATTCGAACTTCCGACTCCATGGTGGAT  
GTTCTGAATGAATGGCTCAACGTCCTCCAGTCAATTCAGATTCCCTTTGCTCTGATTCTTCTGTGTTTGGCT  
TCAAAGGAACATCTAATGGGTACTTTTGAATTGGCCCCGTTTTAAAGACAACCTCTTGGCTGGTGGCAGTTTT  
GGTCATGGCCATCAACGGGTATCTTCTGGTGAGCTTCTTCTCATCAGAAGTGAACGGAGTGCTCATTGCCATTT  
TTGTGTTCTGCTTCTTATTGCTGCATATCTTGCTTTGTTGTTACCTTGCTCTATCGGAGCATTCGTTTACAAGTTG

GCACAACTTCATTAACCGGAAGACTTACCTGGGCAATGGAACTGAGTGATCATCTTCAACTTCGACTCTGACT  
TGTTTTAGATTGCAGATCGATGATTGTCAAATAATTGCCTTGTCTCTAGCATCTGTTAGTCCTCTAGCATCTGT  
TAAAATGCAGTTGGGGAACACTTCCCAGAAGTAATATACCGGTCAGTTAAAGATATATGAATTGTGATTTGAC  
ATGCTTTTCTTCAGAAAAGCTGTTTTGTTTATTCTGTATTATAGTTGTTCATTTTTCTGTTTTCATAGTCAAATG  
AAAAAGCAGATTGTAGGCTATGCTGCGGCCTTAAATATGGTGGTGATTTAAAGTCTATGTAGTTTTAGTAGTC  
ATAGGTTAGGTTATATTTATGTCATTCAGAGTGTTCTAAATTTACTTGGCACGAACTTACTCATCACTCGATCTA  
ATACTGAAATGCGATCTTAAATGATTAAGCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCC  
CCCCCAAAAAATTTATCAATACCCCCAACCCCA

>trans\_c\_1635 XM\_002330091|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca4  
(Lhca4), mRNA

ACTCCTGAAAACCCATTTTCTTCTCAATCCAAAAAGATCATTCAAGGAGAAATGGCCACCGTCACCACTCAAGC  
TTCTGCCGCCGTTTTCCGGCCATGTGCCGCCGATCAAGATTCCTTCCGGTCTTCCGGTAAACTCCACCGTGT  
GCTCTCGGTAAAGCCAGTTTCTGCTTCTTCGTCTTCATCTTCAAGGTTGAAGCTAAGAAAGGAGAATGGTTGC  
CTGGTCTCCCATCTCCGGCGTACTTAAACGGCAGTCTTCCGGTGACAATGGATTTGACCCATTGGGATTAGC  
GGAAGACCCAGAGAATTTGAGGTGGTTTGTTCAGCGGAGCTGGTGAATGGGCGGTGGGCGATGCTGGGTG  
TCGCAGGAATGCTTCTACCGGAAGTTTTACGAAGATTGGAATCATCAACGCCCCTCAATGGTACGACGCCGG  
AAAGGCAGAGTACTTCGCCTCGTCGTCAACTCTGTTCTGAATCGAGTTTATCCTCTTCCATTACGTCGAAATCC  
GAAGATGGCAAGACATTA AAAACCTGGCTGTGTTAACCAAGACCCATTTTCAAGCAATACAGTTTGCCACC  
AAATGAATGTGGTTACCCTGGTGGGATTTTCAATCCCCTGAATTCGCTCCAATCTCGAAGCTAAAGAGAAG  
GAACTAGCCAATGGGAGACTTGCGATGTTGGCGTTTTTGGGGTTCATAGTGCAACACAATGTGACAGTAAAA  
GGGCCATTTGACAATCTTTTGCAACACATCTCAGACCCATGGCACAACACCATTGTCCAGACATTTGGTGGCAA  
CTAAGTTTGGTTTGTGGAAGGTTGTTGTTGTTGTTGTTATTAAGAGTAAAAATGGTTGATATGAACTGAGATT  
CTTCGAGAATATGTTTTGGAGTGTGGTGTGCTAATGGAATTTGTAATATGCAACAACATAGTGAATATCA  
GTGTACAGAAAGGTGGAGGGGCTTGTCATTGTAGCTTGGATGTTGTTCTTTAAATGACATGAATTTGGCTCTTG  
CAGCTTCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1636 AY059934|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g38820; F13I13.5) mRNA,  
complete cds

ATGTCAAAAAAAAAAATGAGCTCATCTTTAATAATTCTCTCAATTCTATATATATATTTACACCTGATCTCTTCTT  
CATATATACACCCACCGCCATAGCCCCAAAACCTCACCAAAGTTTAAACCTCTCATCTCTTTCCTTTGTTAAGA  
AGTGAAGGAAGGAAGAAAAAAGAAAAATACATATATATGGGAAGTTTGAAGAGGAAAAATTAGCTCAA  
ATGGTTGATGATTTTATCGAATCAGTTGATCATCATCATCAATCACCAACTTCTTCTTTCTCTTTCTTCCA  
ATTCCAATTCCATTGTCTTTTACATTAAAGGAGATTCTTGGGAATGGAACGAAGGAAGAAGAAGAGGTGG  
GTGAGAGTGTGATGAAACACTTGAGAAGGTGGAAAACATCATCAGATGCTAATTCTTCCAAAACCAATAGCCT  
TAGGAAATGGCTTGTGATGAAGCTGAAAATGGAGGGATATGATTCTTCTCATCTTTCTCATACCTCTTGGGTCA  
CTTCCATGGGCTGCCCAGCAGGGGATTATGAATACATAGAGATGAGAATGAAGGGTGAGAGACTGATAATA  
GACATAGAATTCAAAGCTCAGTTTGAAGTAGCAAGAGCAACAGAAGAATACAAACAGCTCACAAAAGCACTT  
CCATCTGTGTTTGTAGGAAGTGAAGAGAAAGTTAAGAGAATAATAAGTGTTTTATGTTGAGCAGCTAAGCAAT  
CCCTGAAGAAGAGTGGTCTTCACATTCCCCCTTGGAGAATTCCACTTATATGCATGCCAATGGCTTCTTCTC  
ACCTTCATCATCACTCTAATCATCATATTAATTATATCCCTACTAATAATATCAATATTAATTAACATTAGTAC  
ACCAATAGTAATAATAATAATAATCATAACAATAAATTCTACTATTGGAAGCCTCCAATGGTGAATTAATTAT

TATTATTATTAACCAAATTTCAAGGAGAGGTTTTAATTAATTTGGGGTTGTGGTGCTTCTGCATTTTTGTCTAT  
TCAATTTTCTGATATCACTATTAATTGGTGTGTTG

>trans\_c\_1637 NM\_001056344|Oryza sativa Japonica Group Os03g0293100 (Os03g0293100)  
mRNA, complete cds

AAACAAAGAAATATCAAAGCATCGGCCATTGGAGGAGCTGCTCTCTCTCTAAATCCCTTCTCTATGGTTGGCC  
CTTAAAACCCACTTTACAAATGGCTGTTTCTCTCAATTTACTCTCCGCCTTCAACTCTACGAAGTGGCAAGTCA  
CTTACGAAAACGTTTCGAGATCCTCGTTTCCAAATGTCAGAAAATCGACGTCCTTATGTGGGACTTATTGCACG  
ACTAGAGGAATTGCAAAGGAGAGAAGACGAGGATTGTCTCTCACTTGCAGCTACAGGCAGCAACCAGGTG  
GACACAAACACCAATGAGAAGGGTTCTGAAATTACCGGAAGAACTCTTCTAATGACAATTCCTCAGCTTTGA  
GTCAATCGCCTTCAAATGCTTCGTCAGAGAATGGAATCTCTCAACTCAATGTTAACAATGAGTCTTCTTCTCAAC  
TATCCGAGGCTTCCAATGGACAAGCATTGTCTTCAGAACAGAATCCAGATACAAGTTCACACCTGATTCACAG  
TCTACAAAAAATCTCCATTAAGTCAAGAGAAAGACTAAGGGCTGCTCGTGTCTTAGCCGTTACAACGAAT  
CGAAGACCTCCAAGTCCGACATGGGCAGCAAAGTATTGGAAGCAATACGAGAGAGTGATCGTGGGAAGAAA  
AGGTGAGGCTTCCAGAAGCACCTATTAATTTGTTGATGATAGCAAGCGAGGGATGCCAAAACCGGGGTGG  
ACGTTTCAGTTCCAGGTGGTTCAGATCTGTTCTTCATTGTCTTTTCGTTTCGTTTCATTAGTACAGTGATGTTG  
CTACCACCTACATTGTGTGGAAAGTTGGTGAATTCATTTTAATGAGTACTGAAATGCACTGCAAAGAGGTTA  
AAAAGCCGCCTCTGTTCTTCTAGAAATAGGTCTTTGATCTTCTTCTTATATGATACACTGGGATGCTCATCTC  
TTGCTAGATGCCATACTCAGTAATGCTTGACAGTCTGTACGTACAAAACCTTTTGTCTAACATTTTGATTAA  
GTTCTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1638 AF462817|Arabidopsis thaliana AT5g49220/K21P3\_10 mRNA sequence

CAGCCAGTTGGGTCTCTGTAGCGTGGTACCCTATATACCGTATACCCACGGGTCCGACCTTAAAAGATTGGA  
TGCATGCTTTTTAACATACCACTCCCTTCCACACCCAAAAAAGGTAATAGACATAGCCTGCCACCAGTAATGG  
TATATCCCAAGGACATCGATGATATTACAAAGATCTCCTTGCCGTGTTTTGGAATGGCTTCTTATAAGCTAAAA  
GGATCAATATGGGGGCAAAATGGCATCAACGACCATCAAAAAGCAAATCTCTCATGCAGGCGGCAGATAAG  
TGTTGAGGAGCCTTCAGGTCAGTCAACCTGATTTTCAGTCTTTTCATCTCATGGAACATATTGGAGATGACA  
GATGATGACTACTTATATGTCTACTTCTCTGTTGCCATTTGAACTGTCGAAATAATGAGCTCGTGCCCTTATCA  
ACTATTTTACTTGCACCCATACTGGTGAGGATACTTTTTGATTTTGGGTGGTTGGTTTTTCTGGGAATATATTT  
CAAGGAGGCAATTAAGGAAAAAGCCCAGAACAACTAGTTAGAACCATTGCAAAATGGGCGAGGAGAGCAA  
TAAGTGAGAAATGTTGGGAGTAGAAATATCAGAAAAGGGCTCATCATTTGAAGGGCGGCAAAAGTAATATG  
GACTTGAAACTAGTGGCAATCAGGATGGAAGGGTATCGTTTTACGCTCTCCTCGGAACTTGTGTGAAGCTA  
TTCTCTATTTCTACACTCCCAAATTTAAAATCATCGTTTCTCTGTTTTGTAACTTGAAATACAAATTGCTGCTC  
TGTATATTTCTATATGCCTTTTATGTTGGATATCTTTTAGATTTACTCATAAGTATAGATGAAAATAGAAATA  
TTATCTCCGTCCCATTTTATATTTTAATATGGATTGAATAGGAGGAATCATATCCCCATCCAATAGAGAGAG  
AAGCTGAACCATTTAACCTATTCGGAAGGGAATTTGAAAAATGAGAATCAACATTCTTTTCTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1639 X92656|L.esculentum mRNA for triose phosphate translocator

GATAAGCTGGGCAGTGGGTCTTCCTAAGCGAGCACCTATTGATTCAACCCTCCTGAAGTTGCTGATCCCTGTA  
GCTTTCTGTCATGCACTTGGCCATGTCACTAGCAATGTCTCATTCGCAGCTGTTGCTGTCTCATTCACACG  
ATCAAAGCTCTGGAACCATTCCTTAACGCTGCCGCTTCTCAATTTATTTTGGGGCAATCCATTCCCATTACCT  
GTGGCTTTTATTGGCTCCTGTTGTCAATTGGTGTGTCAATGGCATCCTTGACTGAGCTTTCAATTAAGTGGACTG  
GTTTCATTAGTGCTATGATTTCCAATATTTCTTTACCTACAGAAGCATTTATTCAAAGAAAGCCATGACTGACA



TGGACAGCACGAACGTCTATGCCTATATTTCCATTATTGCTCTCCTTTCTGCATTCCACCTGCTGTGATCGTGG  
AAGGACCTCAACTGCTAAAGTTTGGTTTCAATGTTGCCATAGCCAAAGTTGGTCTAACCAAATTCGTCTCAGAT  
CTCTTCTGGGTAGGAATGTTTTATCACCTTTACAATCAGTTAGCAACCAACACCTTGGAGAGGGTAGCACCCT  
TACTCATGCAGTTGGAATGTGCTGAAACGTGTATTTGTGATTGGATTCTCCATCATTGTCTTTGGTAACAAAA  
TCTCTACACAGACTGGTATTGGAACCTGCATTGCAATTGCAGGAGTAGCTCTTACTCTTACATCAAGGCTAAG  
ATGGAAGAAGAGAAACGACGAACAAAGGTGGCTTGAAGAAGCATTGGATGGAGGAGATGGGAAGCTTGGGA  
AATGAGGGGAGGATTTGGTGTGTAATTTTAAAAATAATAATTCCATCAACGTGAAAACGAAAAAAAAAAGAAG  
TTATTTTGGGAAGTATTCGATCAATTTTTATTGATTCTGAGCTCAGACATTTGTTGATTTTGTAAATTATCCAACGTT  
GTCTCATTTTAAAGCCTTTTTAATTTTAAAACTATGTCGCTTCTCGGCACATTGCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1640 XM\_002878040|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase, mRNA

AAACACATAGGAATTAGCTTGGGGTTTGAGGGCGAAATATTGAGCTAAGTAAAAATGGAAGCGCTGGTTTGC  
AGGAAGCTCGGAGATCCAACAATATCGTCGCCAAGCGATGAGAATTCACCAGTAGTATTGAGTAAAAACCAT  
CCGATTCCGCAATTGGATTCTCCAACGTCGGTCAGAGTTCAGATTAAAGCTACAAGTTTAAATTACGCCAATTA  
CCTTCAGATTCTTGAAAAATACCAAGAGAACTTCCTCTCTTTCATCCCTGGTTCTGATTACTCTGGAATCGT  
CGTTGCTGTTGGCTCTAAAGTTTCAAATTCAGAGTCGGAGATCGGGTTTGTTCTTTGCTGGCGACGGTTCTT  
TTGCTCAATTCATCGTTGCCGAGGAGTCGCGATTATCCGAGTACCTGATGGATGCGATCTGGTGGCCGCCGG  
CGCACTTCCGTTGCGTTCGGGACCTCGCATGTTGCTCTTGACATAGAGCCAAGTTGGCTCCTGGACAGGTA  
CTGTTGGTTCTTGGGGCAGCTGGAGGTGTTGGGCTAGCTGCCATTCAAATCGGGAAGGTCTGCGGTGCAGTT  
GTTATTGCCGTTGCTAGGGGAGCTAAAAAGGTAGAGTATCTCAAGTCCTTGGGAGTTGACCATGTAGTAGACT  
TGAATCATCAAAATGTCATTGAAAATGTGAGAGCCTTCTCAAGGAAAGAAAACCTAAAGGGGTTGATGTTTT  
GTATGACCCAGTTGGAGGAAAGTTGACAAAAGATTCAATGAACTTCTAAACTGGAGTGCAAACATTCTCGTG  
ATCGGGTTTGCCAGCGGGGAGATCCCTGTTATCCACGAATATCTCTTGTAAAGATTGGACAGTTCATGG  
ACTTTATTGGGGCAGCTATGCCATACATAGACCTCGAGTTCTGAAGAGTCTATGAATCAGCTATTATCGTGGT  
TATCGACTGGATCGATCCGTGTTACATTTCTCACATTTATAGCCCATTAGAGGCCAACCATGCCTTTTATGCCA  
TAAAGAACAGAGAAGCGGTTGGAAGAGTGGNTGTTGGTTTTT

>trans\_c\_1641 AJ421413|Nicotiana tabacum mRNA for alpha-tubulin (tubA3 gene)

TACGTAACGTGCACGTGGCACGTGTCGGGGATCACACTTGACCATCATAGACGAGGGCTCAAAGCGCTGTT  
GGTGATTTTCAGCCACTGAGAGTTGCTCGTGGTAGGCCTTCTCAGCTGAGATCACAGGTGCATAAGAGGAAAG  
CATGAAGTGGATTCTGGGATATGGGACCAAGTTGGTCTGGAATTCGTTAACATCCACGTTCAATGCACCATCA  
AACCTCAAACCTGGCAGTTAAAGAGGAAATGACCTGAGATACAAGACGGTTGAGGTTTCAGTAGTTGGGTGCG  
TCAATGTGAGGGAGCGCCTGCAAATATCATAGATGGCTTCATTGTCTAGAAGCACCGCAACATCAGTGTGTT  
CCAAGAGAGAATGGGTGGAGAGGACACTGTTGTAAGGCTCAACAACAGAAGTTGAGACTTGTGGAGAGGGG  
TATACAGTGAATCCAAGCTTGGATTTCTTTCCATAGTCAACAGACAAACGTTCCAAGAGGAGGGAGCCGAGAC  
CGGAACCAAGTACCACCACCGACAGCGTTGAAGACAAGGAATCCTTGAAGACCAGTGACGTTGTCAGCAAGCT  
TGCGGATTCTGTCCAAGCAGAGATCAACAATTTCTTTCCAACGGTGTAGTGACCACGTGCAAAATTATTGGC  
AGCATCTTCTTGCCATTGCTGTGCTCAACAGGGTGGAAGAGCTGGCGGTAAGTTCTGTCTCACCTCATCAA  
TGACAGTGGGCTCAAGATCAACAAAAACAGCGGAGGAACGTGCTTCCGGCACCAAGTTTCACTGAAGAAGG  
TGTTGAAAGCATCGTCACCTCCACCGAGAGTAGTGTGCGCTGGCATTGCGCATCGGGCTGAATACCATGCTC  
AAGGCAGTAGAGCTCCAGCAGGCATTCCCGACCTGGATACCGGCCTGACCGATGTGAATTGAGATGCACTC  
TCTCATTTTGGTTTAGAAGAAACGAAGAAGAAGAGATCTGAGGGAAGAAACGGAGAGAAGGAAGGAAAATA  
TCTCGCAGAGGAAGAAAGACGTTTGTGAAGACGCCTTCTCTTAAGGGTTTCCCC

>trans\_c\_1642 XM\_002298142|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb6 (Lhcb6-1), mRNA

AAAACCATGGTTGCAACTTCTGGTGCTGTGCTTAATGGATTGGGCTCACCCCTCCTCCCGTGGAAGTAGCAGA  
ACTCGGACCTTGCTGGCCGGAGCTAGAGGTGGTGTCAATGTTGTCTAGCAAGCTTGTCGTCATCGCTG  
CTGCTCAGCCTAAGAAAGTCTTGGATCCCTGGTGTAGGGGTGGTGGCAAGTTGGTCGACCCAGAATGGCTTG  
ATGGCTCGTATGTTTCTTTTACTTTCTTCAAGTTAGCACATTGTTTGTTATTGTTTTGAACTTGTTCCATTCTGTA  
GACTTCAGGTGACTACGGCTTCGACCCATTGGGTTTGGGGAAGGACCCAGCATTTTTGAAGTGGTATAGAG  
AAGCAGAGCTGATCCACGGGCGGTGGGCAATGGCAGCAGTGGTCGGAATCTTCGTCGGACAAGCCTGGAGT  
GGAATCCCATGGTTCGAAGCCGGAGCAGATCCAGGCGCAATTGCTCCATTCTCCTTCGGATCACTTCTAGGAA  
CCCAGCTTCTGCTGATGGGATGGGTTGAAAGCAAACGATGGGTGGATTCTTCAACCCAGAATCTCAATCGGT  
GGAATGGGCAACGCCATGGTCGAGGACGGCAGAGAATTCGCAAACGCTACCGGAGAACAAGGGTATCCCG  
GAGGAAAATTCTTCGATCCATTGGGATTTGCAGGAACTCTTAAAGATGGGGTTTACATTCCAGACACGGAGAA  
ATTGGAGAGATTGAAGTTGGCAGAAATCAAGCATGCTAGGATCGCCATGTTAGCAATGCTCATCTTCTACTTT  
GAAGCTGGACAAGGGAAGACACCATTTGGGTGCTCTTGGATTGTAAAAACAAGAAAAAATTGTTGATGTGAAG  
ATAAAATTGTTTATAATTTACTAAGAAAAAAGGGATTGAACATGTGTTGATGATTTTGAGATAGATTTTG  
AAAGGGGTTTTGTTGGAGCCCTAAAATCAAACTTCAAAATTGAGTGTTTGCCATTTCAAAGTCTACCCCTTG  
CGTGTTTTTCAATTTTAGTTGATTGAATCGCTTAAAGTTGATGGTGTT

>trans\_c\_1643 AY106899|Zea mays PCO110557 mRNA sequence

ATTTTCATTACTCATTTCCAATCAAAAGGGTCCTCCTGATCTCACAGTCTTCTCCTCTTTCAATTCCTCTCGCCCG  
AACCTTAACCCCGAACACCTCTTCACCAATGGCCGCCGTCTCAAAGTTTCTCTCGTGGCTCTCATTGCCATCA  
TCTTCACCGTTGCTTCCGTTGCCGCTCAGGAGGCTCCGGCTCCAGTCCGGCCTCCCCTGCCACCTCTATTGCTC  
CTTCGGTCGTCTCCGCTTGCTCGCTGCCTTCGTTGCTCTCGCCTTCGGATCTACTCTTAGGATCTGAGGTATCG  
GCCTTCCGATGTGGTGATTGATTTTGCCATGGACTCTCCATGTATTTGTGATCTGCTTTTCTTTTTTTATCTCT  
CTTGAAGTATAACCTTGCGCGGCGGAGGAATTTGTTTAGATGTTTTCTAAGGGACTTTAATTTCTACACGTT  
TGGTACAGAGGACCTCTTTTGTACACATTCTTATATATAGAATGCAGGTTGTGTTGGTTTGATCACGATTGT  
GCTATATTTTGTGGTTTTGATTAGTAAATAAATTGTTTCGTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCCCCCAA  
AAAAATAAAAAAACCCCAACCCCAAGGGGGGCCCCGACCCCAATCCCCCAAAAAGAACACAAAAAAC  
CCCCCCCCCGCCCCCTTTTAAACACTCAGGAAGGAAAAAACCCGGGTTACCCCAATAAACCCCTTTA  
AAAAAACCCCTTTTCCCATTTGGGAAAAAATAAACCCCAAAACCCCTTCAAAAAATACCCA  
ACCAAAAAAGAAAAAGGAACCCCCCTAAAAACACCAAAAAACCCGGGCGGGGGGGGGTTACCCCAAA  
GGCCCCCATAAATATCCAAACCCCAACCCCTTT

>trans\_c\_1644 XM\_002868997|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L8, mRNA

AGGATCGCTGCGGTACCGAACTGAAAATCTCCGATCTCGCGGAGCCGCCATGGGAAGAGTCATTCTGTCTCA  
ACGTAAGGGAGCGGGATCTGTCTTCAGGTCCCATACATCATCGGAAGGGTCCGGCCAGGTTTAGAAGTCT  
TGATTTGCGCGAACGAAATGGTTATCTGAAAGGAGTCGTCACTGAGATTATTCACGACCCTGGCCGTGGAGC  
GCCACTTGCTCGAGTTTCTTCCGCCATCTTTCAGGTATAAGAAACAGAATGAGCTGTTGTTGCGGCCGAG  
GGTATGTACTGTTGCAATTTGTTTACTGCGGGAAGAAAGCAAATCTTGTGGTTGGAAATGTCTTGCCATCA  
GGTCGATCCCTGAAGGTGCCGTCGTCTGCAACGTTGAACACCATGTTGGTGATCGTGGTGTTTTGCCAGGTG  
TTCGGGAGACTACGCTATTGTTATCAGTCACAATCCCATAACGACACATCCAGGATCAAGCTTCCATCCGGTG  
CGAAGAAAATAGTTCCAAGTGGGTGCCGTGCCATGGTTGGTCAGGTTGCAGGTGGAGGCAGGACTGAGAAG

CCCCTCTGAAGGCTGGTAATGCTTACCATAAATTTAGAGTGAAGAGGAACTGCTGGCCGAAGGTCCGTGGT  
GTTGCAATGAATCCCGTTGAGCATCCTCATGGAGGAGGTAACCATCAACACATTGGACATGCCAGCACAGTCA  
GACGGGATGCTCCTCCGGGTCAAAGGTTGGTCTCATTGCAGCAAGAAGAACTGGTAGGCTCAGAGGACAA  
GCTGCAGCAACTGCCGCTAAAGCCGATAAGGCATAGACAGTATTATAATTTAGATTGTTACTTCGGTTTTGAG  
ATCATTTTCAATTTTACTTTTATCTATCAATTTTTCCAAGACTAGTCGTGTACGACCAATATAACTTTTTGAGAACT  
GTTATCGAGTTCCTGTCTTCACAAATTTGAAATTTTGGTTTGTTCCTCGTATGAGTTTGTCCGATAAATATT  
TGGCTGATTCTTATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1645 NM\_116182|Arabidopsis thaliana chalcone isomerase (AT3G63170) mRNA,  
complete cds

AAAAAAAAAATGGTATCTCTCCGCTTCCATTCTCTTCTCAGCCACCAAAGCCCCCGTCGTAGCTTTCTCC  
GACCCTCGTACGCTGTCGCTGTCGCTGCCGGCGGCGCTGCGGCGGCAGTCGGATTTGTCTATGCAGCTAGGA  
ACTCGACGAACCCACAAACCCATTTCTTGAAAGCGCATTGAATTTGCTCTTCTCAGATCATTCATCTCCCTTGT  
GGGCTTCTCTCTCTGCGGAAAATTCGGCCGCTCTTCAGTTGTTGATTGGAAGACTGGATTTTCATTTCCGT  
CTGTGATTGGAGATTCTCAGCAGCTTCTTGAATTGGGTTGCGAAGAAAAGCCATTTTGGGACTGAAGAACAT  
CAATGTTTATGCATTTGGTGTATGCTGACAATGATGACATAAAGGAATCACTGAGTGAGAAGTACGGGAAA  
CTCACTGTATCTGAACTACAAGAAAAGGACTTTGACAAAGATGTCATGGAAGGCGATATATGCATGACTGTTA  
GACTTCAAATCGTCTATGGAAAAGTGAAGCATCCGATCAGTTCGAAGTGCATTTGAAGAGTCTGTTGGAAACCG  
ACTCCAGAAGTTTGGGGTTTCCAGACAACAAAGAATTGCTTCACAAATTCATTTCCCAATTCAAAGACGAGTAC  
AAAATACCTCGAGGATCGGTGATCGATCTCTCAAAGAAGCAGGGGCACGTCTCCGTACAATCATTGATGGAA  
AGGAAGTGGGAAGCATCCAGAGCCAATTGTTGTGTAGAGCCATCTAGATCTCTATATTGGTGAAGATCCATT  
TGATAAACAAGCCAAAGAAGACATCAGACAAGCCTTAACCTTCTATTCTTCAGAAGTAATAGTCAAAAAATAAA  
GGGAGAGAAAAAATGAGGAGATTGGTGCTGTCTTCTTGTGTTTGATATTGCTGATGTTTAAATGGAGTTTCTTT  
TTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTTTTCTTTTACTGTTGCAATATTTATTTTTTGGTCAATTTGCGTTTTGGG  
CTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1646 GQ455410|Citrus sinensis cultivar Pera ubiquitin-conjugating enzyme variant mRNA,  
complete cds

CCTTTTTTAACCTATCGATTCCATAAGACTTCAAGTTGTCCTCGTTATTCTCTTCATTCTGTCCTTTATCTTCTTA  
GATTCTTCTTCTCAAGTGTTCTATTTCTCTCACTCTTCGATCAGATCCTTGCTTGCTGATCGCAATTAACCATT  
TTTATTTATCTATGACGCTCGGTTCCAGGAGGCTCGAGTGTTGTTGTTCCAGGAACCTCAGGTTGCTGGAGGA  
ACTTGAACGTGGAGAAAAGGGCATTGGCGATGGTACTGTAAGCTATGGAATGGATGATGGAGATGATATTTA  
TATGCGTTCGTGGACTGGCACCATTATTGGTCCACACAATACGGTACATGAAGGTAGAATTTATCAGTTGAAG  
CTGTTCTGTGACAAAGATTACCCTGAGAAGCCACCAAGTGTTCGTTTTATTCAAGAGTCAACATGACATGCGT  
AAACCATGAAACTGGAGTGGTTGAGTCAAAGAAATTTGGACTTCTTGCAAATTGGCAGCGAGAGTACACCAT  
GGAGGATATACTCACACAGCTGAAAAAGGAAATGGCAGCTCCACATAACCGAAAGCTGGTCCAACCTCCCGA  
GGGTACATACTTCTAGTTCCAAGATCATGTAAACATGATCATATGGTGTGCAATATGCAAATATAGTTTGCAAT  
GCTGTGTAATTCTGTGGAATTGATCACATTCCAGGAAAGAACCAAAATCTTGATGATGATTAGCATTGCTTCA  
TCGTTGATCAATAGTATTTTTCTTGTCATTCTGTGTTAAGGGATGGTCTTCTAATGATGGAAATGTGTCGAAAT  
ACAAATTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGG  
CCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAACCCCCCAACCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCAAAAG  
GGAGCTAATTTCCCCCCTCTGGGCCCTTTTTTACAAC

>trans\_c\_1647 NM\_127796|Arabidopsis thaliana ATUBP4 (ARABIDOPSIS THALIANA UBIQUITIN-SPECIFIC PROTEASE 4); ubiquitin-specific protease (ATUBP4) mRNA, complete cds

CTCAACGAACTTGTTGACATACTGGAGAAAGAGGCACATGCTATTAAGTGATGCAGAAAGTTCATCACCAT  
CTGAAAAAATTTCAAATGGTCCCAAGACTGGTCAGGCAAATGGTGCTCAAAAAGAGCCGTTGGTGAAGTGGG  
TCCATAAAAATTTTCAGGGTTTACTAACTAATGAGACAAGGTGTTGCGGTGCGAGACAGTTACAGCAAGGGA  
CGAAACTTTTCTGGACTTGAGTCTTGATATTGAACAGAATAGCTCAATACTAGCTGTTTAAAAAATTTTCAGT  
TCCACCGAGACATTGAATGCGGAGGACAAGTTTTCTGCGACAAGTGCTGCAGTTTGCAAGAAGCACAGAAG  
AGGATGAAGATTAAGAAACCACTCATATCCTTGTCATTCATCTGAAGCGGTTTAAATATATCGAGCAGCTTG  
GCCGCTATAAAAAGCTGTTATACAGAGTTGTTTTCCCTCTTGAGCTGAAGCTTAGCAACACGATGGAGGATGC  
GGATTCTGAGTACTCTTGTTGCTGTTGTGGTTCATGTTGGAAGTGGACCCAGCCACGGACACTATGTTAGTC  
TTGTGAAAAGCCATAACCACTGGTATTTTTGACGACGAAAATGTGGAAATGATTGATGAGTCTGTTGTGCA  
GACATTCTTTGGATCTGCACAGGAATATTCTAGCAATACTGATCATGGCTACATCTTATTCTACGACAGCATTG  
GTACTGGCAACAAGAGCTGATAATTGGAGAATTCCCATATCATCAGCCGTCGGGTAATTTAAATTCGACTCTT  
GCTTTTTTGGGTTTCGCATGTTTATTAATGTTATTACTTTTTCTTTTATCTTTTTCTTTTTCTTTTTATAACACC  
ATTGGGAAGAGCTGCGAAATATTATTGATGTTATGGACTGAAAAATGTATACATGTTGCGTTGCCAGTTTGG  
CATATATACGGTACGGCGGCAGCTTTTCTTTCCCTTTCAATAAGTGAAAAGAGAGCAATGTATGATGTTTAT  
GAATTGCTGCTTTAGAGTTGCAAAAACAAAAA

>trans\_c\_1648 AJ627908|Arabidopsis thaliana plastid mRNA for S-adenosylmethionine transporter (samt gene)

ATTCCGCCATTACACGTCGACCGTCACCGGACATAGCAGCCTATTCAGAGTACCAACGGACGCCAAAACCTCC  
TCCTTAACCTCTTCAGTTCGATTCAAGAAAAGCCTTTGCGACGTGTCAGCATGAAGGAAGAGAAGCCATTTCGA  
TTTTTTCGCGGACTCGTATTTGAGGGTGTATAGCAGGAGGTACGGCGGGTGTGGTTGTTGAGACAGCTTTAT  
ACCCCATTTGATACAATTAAGACACGGCTACAGGCTGTGCGCGGAGGTGGACAGATCGTATTGAAGGGACTTT  
ATGCTGGTTTGGGAGGAAACATTGCTGGTGTGCTGCCGGCTTCTGCTTTATTTGTTGGCGTGTATGAACCCAC  
CAAGCAGAAATCCTAAGGACTTTTCTGAAAGCCTTAGTGCCCTAGCCCATTTTACGGCTGGTGCAATAGGTG  
GTATTGCTGCTCCTCTCATTCTGTTCCAACAGAGGTTGTTAAACAACGGATGCAAACTGGACAATTTGCATCA  
GCTCCAGATGCTGTACGCTGATTGCCACAAAAGAAGGTTTTAAAGGACTCTATGCAGCAAAGCGGGAATTG  
AATGATCCTGAAAATGCTATTATTGGAGCTTTTGCAGGTGCATTAAGTGGAGCTATAACCACTCCCTTGACGT  
CATTAAAGACAAGATTGATGGTTTCAAGGTTCTGCAAATCAGTATAAGGGAATTGTTGACTGTGTCAAACGATT  
GTCANGGGAGGAAGGAGCTCCTGCTCTTTGAAGGGTATTGGACCTCGAGTTCTATGGATAGGAATTGGTGG  
TTCCATTTTCTTCGCGCTCCTTGAAAGCACAAAGCGTTTACTAGCAGAGAGGCGTCCCAACCGCAAAGACCCA  
AAACAAGAGTAAAGCGTTCTTACAATCCATCTAAAATCTATAATTAGTAGTCATTGCTAGTGGTGCTTCATTTG  
ATTTATGAGGTTATGAGGATATAACAATGGGATGGACTATGAAATGAGAAAGAGTTGTAGACTACTTGATTCT  
TTGTAGAACAGTGACTGAACACTGAAAATAATGAATCAGTTGCTT

>trans\_c\_1649 X92491|S.tuberosum mRNA for TOM20 protein

GTATGAGCGCCAAGAACTACCGCTTATTCCATGAATCCGTCCTAAAGCTCAACCGCCTTCTCCCCATTTTCCC  
AGCTTTCTTCTCACACAACCATTTTTACAACCCTTTTCTTCTAATGGATTTGCAGCCCAGCGAATTCGATCGCAT  
TCTTTTCTTCGAGCATGCTCGTAAGAACGCCGAATCTACTACGCCACCAATCCCCTTGATGCCGAGAATTTGA  
CGAGATGGGCAGGAGCTTTGTTAGAGCTTTCTCAGTTCAGAGCGTTCCAGAATCGAAGAAGATGATTCTAGA  
CTCAATTTCAAAGCTGGAGGAGGCACTGATGATTAACCCAAAGAAGCATGATGCTCTTTGGTGCTTAGGGAAT  
GCTTATACATCCCATGCTTTTTTGAACCCAAACCAGGATGAGGCAAGGGAGTTTTTGTATAAGGCCACAATATA  
CTTTAAGCAAGCTGTGGATGAGGATCCTGAAAATGAAATTTATCTGAAGTCTTTGGAGGTGACTGCTAAGGCT

CCGGAATTGCATTTAGAGATCCATAAGCATGGGTTTGCTCAACAGGCAACTGGAGCAGCGGAACCTTCTGCTT  
CATCCAGTACTAAGAAAAAGGGTAGCAGTGATCTGAAATATGACATATTTGGATGGATAATACTTGCTGTTGG  
CTTAGTTGCATGGGTGGGGTTCGCGAAGTCTAACGTCCCCACCCCGCCAGCACCCCGATAAGTCGTCTTGCGA  
GAAGTTTGGAAGTCCAGAGGCATTTATCTGATCTATTAGTAGAGATGAGAATTACATATCAATCATCCCCTTC  
TTTTATTTTTCACTCTTTTTGGGCAGTACTATTTTAGTAGATTTATTATCATGTGAATCGCTTTTGTTCTGCTT  
TTCTGCGCTATGACTTGTGTAAAAAGAAGTTGGGTTTGCATCCTTTGTAATGGGAGGGGGGTTTGTGGGAA  
CCTTTGTTTACTATTTGGTGATGATTTGTAGAGTAGAAAAGGTTTACTCTAATTTCTTTTCCCAATATAGGAA  
TGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1650 NM\_001068508|Oryza sativa Japonica Group Os08g0459300 (Os08g0459300)  
mRNA, complete cds

TGCCTTTGAGTAAACACAAGTCTCTCCTTCGCTTCAATCTCACTTTTTCTTCATTTCTTAATCTCTCTCTCTCT  
TCTCTCTGTAAGACAGCTGCAATGGCGACCAAGATTCTGTGGTATCTCTTGTCTTCTGCCCTGTTCTGCTCTGTT  
TTTTCTGCAGGAGATTTTGCAGCAAATGTGACCGATAACCCTGCTGATAAACTAGTAGCTGTGCTGAACAAGA  
ACAGAACGGCTCATAAGTTATCTCCTCTAAAAGACAATCCTGGCTTGGCATGCCTTGCTCTTCAGTATATTAAG  
GCGTACCAAGGGAAATGTGAAGCGGTTGGAGGTCCCGACGGAATGAAGCCTCCTAATTCTGCGTTTGCTGAA  
ACTTTTGCTCCTAACTGTGGCGTTGTTGTATCGTCTCTTGACCAATTACGGGGCGGTTGCTCGGTTGCCAGTC  
TAAATATGTACATGCTCCCGAAGCATTTTCTGATGTTTTAATGGAGAATAACAAGAGCTTGGAGATTCTTTACT  
ACAAGAATAAACTGAAGTTGGAGCTGCTGTTACTGGCACGGATGGGGGTTCTCCTTACTTTTGGTGTGTGTT  
GTTTCAGCAACGGCAGCACCTCCAACAGCTTTGCTTTTGAGGGGGGAGTGGCCAAGTTAACGCGCCCCGGTTG  
CTACAGTGGTGCCAATGACCAATGCAGCGGAGCCAATAGGCAGTTCTCAACCTCCCGTATGTTGCTATCAGCC  
ATCACATCTTTAGTTGCCATAACATATGCCTTTGGTTTATGATCGTAGTCGTAGATAGGTCTCATCGAAACACG  
AAAAACACCATATTACTTGCTTTACAACCATCTATTTCTTCATCATTGGTTGGGCACTGTATTCTTTGTTGATT  
TTCAAGTTTTGAATTGCTTTCAAAGTGTTGATTCTGTTATTTGGTCATCAAGTCATCATATATTGAAAATC  
TCGTGTATTCTTGGATTTCATAGGGGATCCATTTTTCTCATAAAAGAAAGTTCCACTTTATTAAGTACAGTTA  
CGTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1651 XM\_002879845|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA binding protein, mRNA

ACCTCTAGTCTTCTCCAATCTTTCATAGTTCACCCCTCCCCTACGATCAGACGACGCCGGCGACTGTAACTCCG  
ATCAGTCCAACCGCAATTTCCCTTTGTTTTGGACTAGGTTTAAAGGATTTCCCTTTGTTTTCTTATCCTTTTTTC  
TGTATGAGGAATGTTTCAACTGGTTTGACAGAACACACATATAAACCCAATTAATCTTAATAGAAGCCATTGG  
ATAAACCTATCTCTTCTCATCTCACTTCAGTTGCCCCACCGTAGGTCGCCACTGTTCTCATCTCCCATCACCGG  
CTGCCGGAGGCTCCCCAACCGGCGCTCTAACCTCGTCTCGTCACTTATTAGAAGTAGGGTTGAAGCCAAATCT  
CTGTCAAAGTATGAAAGGTGGAAGAAAGAACTTACAGAGGGCATCAGAGCATCATATCGCGAGCCTCGAAGA  
TGGTCATAGCATTATGCTGGTTGTCTCAATTCGTGGTTCCAATCTAATTGAGGTAATGGATGCACAAGGTGGG  
AAATCACTGGCATTATTTCTGCCAAGTTTCAAAAGAGTATGTGGATAAAACGAGGGAGTTTCGTTGTAGTTG  
ATGAAAGTGGAAGAAGAATGCTCTTGAATCTGGAAGCAAGGTGGCATGCATTGTTTCTCGAGTTCTATATT  
TGAACAAGTTCGCGAGCTTCAAAAATCCCCAGGATGGCCAGAAATCTTCAAGAATGCAATTGTTGGAGATCGA  
AACGAAAATCTTCGAGCACAAAATAATCAACCAGAAGAGGATGAGGTCAATTCGAGTGATGATGATGGCCTT  
CCCCCTTTAGAAGCCAACACGAACAGAGCTAAACCATTAAATTACAACCGGATGCCGAATCAGAGTCTGATT  
CAGATTCTTAACTTGTATATTAGTTTTAACTCTACACTCTTTATTTAATTACCATGGACATTCATTTTGATCGTTT  
GTCCTACGATTAAAAATTTAATTTTGAATAAAATTTCTGAGTACCTATTTTTGAATCTGATGGGATAAGATAT  
CTATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1652 XM\_002875190|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase family protein, mRNA

AAGAGAGGAACCCAGTGAACCTGAGTTAGTATGTCTTGAGGCTAGGCAGATCATAGCTGAAAGGGAGTTCTC  
TTCTCCCACTTCTGATTGGAGCAATGAGGAATCCAGTTTGATTAGACTGTGAGGATGGAGAATTAGATTATA  
GCTCAGGTATGGCGGCGGATCAGTGTTTAGGCTGGTCGCATTACCAAGTTTGGTGGACTTGGAAGCCTGCATG  
GACGCAATCCACTCTCAAAATTGGAGGAAAGCATCGAAGAGGAGGGCGAAGATAGTGGAGGGGAGGAGCA  
AGGAGAAACAGCTGCCTTTCTCCTTCTGAACCCATTTCTGTCGTGTCAAAGCTTTCTATGTCTCTCAAGAATAC  
CATACTGGGTGATAAGAATCAGAAAAACAAAAGTACCAGGTCACAAAGCCTGAATATGGATATATTACCAAC  
ACATCTGCAGGGCACAGGAGTGCAAATGAGCAGTTTCTCCAAGTGTGAGCTTTGTAAAGCTCGGGGATATGA  
ATGAGGAAGAGTGGTCACTTTTTCTGGATAAATCCCCGAGCTGCTCCGCCAGCATTGCCAAACGCAAATCT  
GCGGTGCTCGGGCAGAGGCAGAGGCAGAGACTTGGTACTTCTTGCCAGTTTGAGATGATGAGGTTCAATTC  
AGTGTGTTGCTGTGATAGAGCATTATAGATATTATATAATAGCATTAGAATTATGGAAGTGATCGACGACTCA  
GTATTAGGATTGGCTTTCATTGTGGCTTTAATCCCTCGAGATAATAGGGCTCATAGTTGGAGCTCAGTTTGA  
GGAACCTTGCTGTATATATTCTTCTCATCAGCTAAGTGAGACCAGCTGAGTAGAATTGTTTGTATTCTTGGTAT  
TTCCCTACCCTTCTTCTTCTTCTCCCTTGACTTGTGAACTTGTTTCATAAATAAATTGTATGCAACTTAAAA  
CCCTGAAAAAAGAGGTGCAATGTAAATAGGGTACTTTATGTTCTGTACCTGCTTTAACTTTATTCTTATAATCTT  
TTTCTTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1653 NM\_112981|Arabidopsis thaliana RNA binding / nucleic acid binding / nucleotide binding (AT3G20890) mRNA, complete cds

TTGTTGAGCTTCTTCTCAAAATTCATGGGCCAGCCCGGAATGAAATCGGAAGGGTAGGGGTCCATTGAGGCT  
TAACCGGAGGTCTCTTTCAGTTCCTTTTCTTCTTACTTCTTTCTTCTTCTCCCTTCACCATATTTGGATTTT  
GGAATTTTCGATTCAGATTTCACAATCCAAGTGCAGCCCTTTCAACAACAACAACCAACTGGGTATCC  
CCTATCAGCATGAACATGTTCTACCGAGGTCCATATGCTGATGGTGGTGATGGTCGTGAAATGGGTGCAAAGC  
GTCAAAGGATAGTCGATCAGGGATCTTCTTATTATGGGACTTCTCCGGGTTCTGGGTTTATGTATAATAAAGT  
CCCTATGCGTATGTTAATCAGCCACCACCATTTCTGTTGTCAGACTACGGGGTTTGCCTTTCGATTGCATGGA  
AACTGATGTTGTTGAGTTCCTTCATGGTCTGGACATAGTCGACATTCTTTTCGTCCACAAGAATGGAAAATTCA  
CAGGGGAAGGTTTTTGTGTCTTGGGTTATCTCTCCAGGTTGATTTTGCCCTTCAGAGGAATAGGCAAAACAT  
GGGGAGAAGATATGTTGAGATTTTCAGGAGTAATCGACAAGAATACTACAAGGCTGTAGCAAATGAAGTTTT  
TGATGCCCCGGGTGGGTACCAAGAAGAAGTGCCCCAAGGTCCAAGTTAAACGATGAGGTGAAAGACTCTG  
CTGAACACACCGGTGTATTACGCCTGAGAGGACTGCCATATTCTGCAGGCAAAGATGACATACTGGATTTCTT  
CAAAGGTTTCAACTTATCAGAAGACTCTATTCATTTAACTGAATTCAGAGGGGAGACCAAGTGGGGAAAGCA  
TTTGTGAATTCTCAAACGAACAAGACTCAAAGCAGCCATGTCCAAGGATAGAATGACACTAGGTAGCCGCT  
ACATCGAGTTGGTCCCATCATCACATGAAAGATTGGACGAAGCAATCTCTAGAGGACGGTGACACCAGCTATA  
ATTCTATTCCCTGTTCTTCTTCAATTAATATGTTGTTTTG

>trans\_c\_1654 NM\_001057074|Oryza sativa Japonica Group Os03g0577000 (Os03g0577000)  
mRNA, complete cds

CTTAGATCTTTTTTGAAGCGGCTTCATTGCTCTCTTCCAGCCTCTCTTTGAATATGGCGACCCAGATGAGTAAGA  
AGAGAAAGTTTCGTAGCCGATGGAGTGTGTTTTGCCGAGCTAAACGAGGTTTTGACCCGAGAGTTGGCAGAGG  
ATGGGTACTCCGGTGTGAGGTTAGAGTCACTCCTATGCGCACTGAGATCATCATCCGAGCCACCCGCACCCA  
AAACGTTCTCGGTGAAAAAGGTAGGAGGATTAGGGAGCTAACCTCTGTTGTGCAGAAGCGGTTCAAGTTTCC  
GGAGAACAGTGTGAGCTTTATGCCGAGAAAGTTAAACAATAGAGGGCTTTGTGCCATTGCCCAAGCCGAGTC  
ACTTCGTTATAAGCTACTTGGTGGCCTTGCTGTTTCGTAGGGCACAGCGTGCAAAATCTATGAAGTTCAAAGAT

GGATATATGATCTCTTCGGGTCAACCAGTCAGAGATTATATTGACTCGGCTGTTAGACATGTTCTTCTCAGACA  
GGGAGTTCTTGGTATTAAAGTTAAGATCATGCTTGATTGGGATCCTAAGGGCAAGCAAGGCCCTACCACCCCT  
CTTCCTGATGTCGTCACAATCCACTCTCCCAAGGAGGAAGAAGAAATCGTCCATAGACCACCAGCAGTTTTGA  
CCGCTGATATTGAGGTTCCAGTAGCAGTACCACCAGTACCAGTAGCTTGAGAGGGCTCTATTCTAGATATTAA  
TGTATGGAATCAATCATCGTCCATTTTGACTTTCTTCCCAAAGATTTTCGTTATGTCTCAGTGATCTGTTGGTTT  
GGGCCTCCCGACTGCAGAGCGTTCTTTTTGATAATCGAACAAAATGCATATGGAGAACAGTCTTTTTGAGATA  
TTAATTTTCAATTTTGCCTAATGATTATTTATTCTGAACCCTGTTTGAACATAATCCCATCTTTTAGGTGCATAC  
TTTCGTCAAGGACTTGACATTTGACTGCCATTTATTTTGATTTTTTAGTACATTTGAGCTTATAATTGTATTATG  
TTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1655 U64678|Gossypium hirsutum ribosomal protein L44 isoform b (RL44), complete cds

TTCGCCGATTAGGGTTTCTTCAGAGAAGTTGTGAGGACCAGAATCCACCATGGTGAACGTTCCCAAGACAAAG  
AAGACTTACTGCAAGAGCAAGGAATGTAGAAAGCATACCTTGACAAGGTTACCCAATACAAAAGGGTAAG  
GACAGTCTTGCTGCTCAAGGAAAGCGTCGTTATGATCGTAAACAATCAGGATATGGTGGACAAACCAAGCCT  
GTCTTTCACAAGAAGGCTAAACTACAAAGAAGATTGTGCTAAGGTTGCAATGCCAGGGTTGCAAGCATGTCT  
CACAGCATCCCATTAAGAGATGCAAGCATTTTGAGATTGGTGGAGACAAGAAGGGAAAGGGAACCTTCTCTGT  
TTTAGATGCATTAACATTGTCATTCATATATATTGCTGCTGTTTAGGGAGTCAGAATTGTGGGCTTGTTCTGCC  
CTTGTCTTTTTGTTTTGGTGTTTCTGATATTTGGGAACATTTTTACTTGTTGAATTTGTTAATGTATCAGTTTA  
TAATGGAACGACTAGCCTATCTTCTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAGGCCCCCCCGGCCCTCAAAAACTAATAAAACCGCCAACCCCAAGGGGGGGCCGGAACCCAATTCCC  
CCTATAGGGAGTCGAATTACCCCCCTCACGGGCCGCCTTTTTACAACGCCGGGACGGGAAAAACCCGGGCTT  
TACCAACTTAATCCCCTTGAAACACATCCCCCTTCCCAAGTTGGCGAAAAACAAAAGCCCCCCCCCGATC  
CCCCTTCAAAAATTTGCCACCCTGAAGGGCAAAGGGAACCCCCCTGTAGCGGCCCATTAAGCGCGGGGG  
GGGGGGGGGTTACCCCCACGGGACCGCTACATTTGCCAGCCCCCTACCGCCCGCCCTTTCCTTTCTTCCT  
TCCTTCCCCCACGTTTCGCCGTTTTCCCGTCAAGCTCTAAAT

>trans\_c\_1656 AL161513|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 25

TGATCAAACCATCGTCATCGTCGTCGTCATCCATTTCAATTCTCACTTTCTTTGCAATGGAACAGCCGCACTC  
TCATCAATCTTCCTATCGCCGACATTTTCATGCCACTGGCCTCTTCTTCTTCCCCCTCCGCCACGAGGATTCT  
ACTGGCGCATGTGGAACCTGCCGCAAGTGCGGGGACCCTACCACTTTTGACCGCCGCCTCTGTCTTGGACCT  
CCGAAGTTTACCACCTCAAATTATCGCCCTATTAGAGCTCCGGCCATCAATCTCCCTCCGAATGAACAGTCTC  
GGCAAGCCATAATTCTCTCGCCAGTTCCTCAATCGGAGAAGGTACTTCCCGTTGCGCCTCCTTTTCTTTTCAAG  
CTCCCTCCAAGAAAATCCAATCGCCTGACCATATCCGTAGCTTCAACGATTCTGATACGGCAAGAATTTCTTA  
GGTTTTATTGTTGCCCTCTCTGAATCCATGCGTGCCACAAAATATCTGATCCCTGTCATCAATCGGACACCGT  
GAATACCATATTTCATTCTTCATACGTTGATTGATTGGGTTGATGAAATTCCTCCCACTGAGCAAGCAGCTC  
GATACGGCAATGTTTCGTACCAAACCTGGCACTCTCGTTGGTCGAAAACAGCGAGGATTTCTGTATACGACT  
TCTTCCCGACGATTGGAGATCCGCCACTGTTGAATTAGTCCCGTATTTCACTGATAGCTTCGGAAATTCGAGCC  
GTATCGATTACGGCACGGGTCACGAACTAATTTTCGCTGCCTGGTTGTATTGCTTGGCGCGGTTGGGGATTAT  
TAAAGAAGAAGATTATCACGCTGTTGTGGCTAGAGTGTTCTGTTAAGTACCTGGAGTTAATGAGAAAGTTGCAA  
TTGGTTTATTGTTTGGAGCCGGCGGGATCACACCGAGTTGGGGTCTTGACGACTACCATTTCTTACCTTTTCA  
TTTCGGGTCTCTCAGTTGATTGACCATAAATATATGAAACCCAAATCTATTCACAATCCGGATATAATGGAAA  
AACTTTTCTTCTGAGTATCTCTATCTCTC

>trans\_c\_1657 XM\_002873690|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

ATAACAGGCTTACTCCCATGGCTCTGCTTGCAACTCAGTAAGGATCCCCTGACAGGACCAGCTTCACCACTCCA  
GCAACAACATCAGAAAGCGTGCTCAGTTGCATCAAATATTTCTATATGGTGTTGTGCGAAATCATTGGACGAA  
TTAGCTACTGTTTTCATGGCATACTCTCGAGGTGAGATCAAAAGTATTCAGATCCTTCTTGCTTGTGTCTCCCT  
CTACTTTGCAATGAGTGGTTTCAAAGCACTCTGCACTGGCTTTTGGCCACTTGTGCGCTTGCTGGAGAAAGG  
ACCAGTTGAATACCAGCGTGAATACTGCTGATGCTGAAGGCATTGCTCCAGCATACTCTGTAGATGCTTCGC  
AAAGTCCACATATGTACGCAATTGTCTCGCAGTTGGTTGAGAGTACGTTGTGCTGGGAGGCATTGAGTGTATT  
AGAAGCACTTTTACAGAGTTGTAGTTCAATGACAGGTCTCACCCACACGAACCGGGGTCCTTTGAAAATGGA  
CATGGTGGAGTTGAGGACAAGGTGCTAGCTCCTCAGACATCGTTCAAGGCTCGCAGTGGACCTTACAATATG  
GCATCGTGTCAACATCTGCACCGGGTCTATTCTTGTGTCGGGGGTTTCAAATGAATCAGGACCTTCTCCAAGA  
GAGGTAGCTCTGCAAAACACACGACTTATTCTTGGGCGGGTCTCGATAGCTGCATACTGGGAAAGAGGAGA  
GAATATAGAAGTTGGTTCCTTTGTCAACAAGTATTGGGAATCCTTAACCTCCACGTCTCTGTAAGTAACTTCTTT  
TATGTAGAGGCAATGTATATATATACACGTCAAGAATTAGTTTTGTAGTAGTGTGAATTATATTATGTAG  
TTCTAGCAAGCTGAGATCCTTCCACTCTATTTAAGCTTTGTAAATGTACGTGTATCTTCTTGCTTACAATGTTA  
ATTTTTTCTATTTCATTTCCCTTAAAAAGCTGTTTGGTGAATCAAATGTAATTCAAAATTCATGTTTGAACC  
ACAAAACAAAAACCAACAAAAA

>trans\_c\_1658 NM\_001059836|Oryza sativa Japonica Group Os04g0513000 (Os04g0513000)  
mRNA, partial cds

AGCTCAGAAAACTTCCATTTACTTAGGCTGCCAATTTCCAGTCCATGAAAGTGGAATTTGGGTAAGCCGAAC  
GAGGAATGAAGCAAAACAGGGTCGGTCTAAGTCATTGTCATCACCTATCTCAAACCCACGATGCAAAATTT  
CCATTTTTATTTCCCCCACTAAAGATCTTTCTTTATAAATTCCTGTTTGGCTCTCAAGAAAACGAGCGAGAAA  
CTCTAAGAAAGTGACGCCGTGTAATTTCCATTCCATCGCACAATATGAGTAGTAGGATTACGTCTTCTGTTTC  
CTGGTCTCCCTTTTCGCTTGTAACCACTAAACCAAAATTACCCATTATTCATCTCCATCTCTCCTTCCATTTCGCT  
CCTCTTCAACTCCTTCAAATCTCCAATTTCTGTGGAATTTACATTTTCAACCAAATGGGTCTTCCAGATTATTAGC  
TCGTTGCAGCTCTGGTGATGGTGACAGCAGGACCATTCTAGATGCATTTTTTTGGGAAAAGCTTTGGCAGAA  
GCCTTAACCTGAGCGAATCGAGTCAACAATTGGAGAGGTTTTGAGTGGGATTGGTAAGCTGCAAGCTGAACAA  
CAAAAACAAATTACTGATTTCCAGGATGAAGTGATAGAAAGAGCTAAAAAGGCCAAGGAAAAAGCAGCACGT  
GAGGCCAAAGAAGTACAACGACCCGTTTCTTCTCAGTAATATCGCCTACAATCGAAGTTTCTTCGTCTCCAAC  
TTCTTCAAGTCCCGACGCAGATTGAGAAAGTGGTGTGAATCAGGATCCTCCCCTTGGTGACTAAGAGTAATGG  
TCACTGTGTCACTTTCTTGGTTATACTTATAGGGAATGTAACTATTTATCGATGATGATAATTAAGTTATTT  
GGCTTTGAAATCATATAGTAATTCCTTATTTAAGTTTATGTCTATTAGATATCTTATGAGTTTCTTGACATTGAA  
AGATCAAAACACCTGATTTGTTAGCAAGAATATTAGGGGATGTTTGACTTATGGGTTTGAAATTAAGGTT  
GACATTTGAAGCCAAAAA

>trans\_c\_1659 NM\_128443|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G28840) mRNA,  
complete cds

GGGGCGGATCGTCTTCAGAGAGATTCCACCGGGAGAATTCCTATGTAATTGCTATGAAGCACAGACATGGA  
ACTTGTGCAGCCTTGCTGAATCCTTCGTCCACAGAGCCACTTGTGGCCATCACCTTGAAATTTATCAATGA  
GCTTAATCAAGAAGCAAAAGCTTTATTAGAACAGGCTCTAATGGAAGCCAACAGGGAGAGAGAGAAGAACAT  
CTTGAAGACAAATCTCCTGGACTACCTCTCCATCGCATTCCGATGCAGTGGATGACAATTTGTCTGAGATTA  
GTGATGAAGATACAGAATTATGCTCCATTTGCTTTGAACAAGCTTCCACAATTGAAGTCCAAAACCTGTGGCCAT  
GTCATGTGTGCTCAATGCACTCTTCCCTTTGTTGCCACAGCAAACCGAACCCGACGACGGCATGCCTAACGCC  
ACCGGTTTGGCCATTTTGTGCAAGCAACATTTCTCATTTGGTTGTTGCGAAAACCAAAGGGGAAGAAGTTGAT  
GACCATGAAGCTATTAACCTCAAGCAGAGAAAGGGAAGGAAGTCCCACTTCAGTGAAGGTGGCAGTAGC



AGCTTCAAGGGGTTGTCGTCAATGACCTCATTTGGGAAGATCGGTGCTGGCCGGAACCTCTGGACGGATAGCT  
GCGGAAGAGGATCCGTCAGTTGATAAGCTTGGTTAATAGGTGTTGGAAATGGCAAATCATACCATCTTTTTTA  
TCAACCAAGATCCTTCTTTCCCGCATTTGCAAACAAATCAAAAGGTTTCAATTCAGCTTTAATGTCGGCCGGG  
CCTCTATCAATACGTAATACAATATAGATTGGGAAAAGAAAACCAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGA  
AAAAAAGAAAGTTGCTTGTAGAATTGGGAAAAAGAGGGATATTAAGAAAAGAAATAGGTTGGGGTTGGTG  
ACTTTTCATCTTTGTGGGTCATGTTTAGTTGTAATATGATTTGTTTAAATTGATATTGAAGAAGTCAAAGGAAA  
AAAAAAAGGTGAGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1660 FJ775529|Glycine max CCAAT-binding transcription factor family protein (NF-YB1a)  
mRNA, complete cds

AACAACAACAACAAGCGCGCCAAATACAAAAATTTCCCTCTTCTCCGCTCCTCTTCTCCTCCTCCTCCT  
CCTCTTTCTTCTTCTTTCGGTACTTTTCTTCCACAATCCCTTTCAATTCCAATTCTTAGGGTTTCATCCCATT  
TTTTCTTCTTCTTCCCTTCAGGTTCTTCTTCTCTTCTCCTATGGCCGACCTCCCACCAGTCCTCCTGGCGGC  
AGCCACGAAAGCGGCGGTGAACAAAGCCCTAACACTGCTGCTGCCGTTCTGTAACAAGATCGTTTCTTCCCA  
TCGCTAATATTAGTCGGATCATGAAGAAAGCTTGCCTACTAATGGAAAGATCGCTAAAGACGCTAAAGATAC  
TGTCCAGGAATGTGTTTCTGAATTCATTAGCTTCGTTACTAGCGAGGCGAGTGATAAGTGTCAGAAAGAGAAG  
AGGAAGACTATTAATGGTGATGATTTGCTTTGGGCTATGGCCACGTTGGGATTTGAGGAATATATTGATCCCC  
TTAAATCCTACCTTAATAGATACAGAGAGTTGGAGTGTGATGCTAAAGGATCTTCAAGGGGTGGTGATGAATC  
TGCTAAGAGAGATGCAGTTGGAGTCTTGTCTGGTCAAAATTCAGCAATATATGCCGCCGGGAGCATTGGCC  
TACATTAACACTCAAGGACAGCACATGATCATTCTTCAATGCAGAATAATGAATAAGAATCTCCAGCATTTC  
ACTCGGATTTCTCGAAATCTGAGGCTGGTAGAAGCGTTCAACACCTACATAGCTTTCTTTACAATCAAATTGGC  
TAATTTATTATGAAAATGATGATATTATAATACATATTTTCTGGGGTTCCTGGGGTGGTTCTGGATTTGATTTG  
GGTTTAGGCTTCGATTTTATTGATGCTCTCGTCAGCTAAAATTTCTGTAAATTTGGGAGCGTCAATTTAGTATA  
GTTTGCTTCGGTTATTTGGAACTGGAAAAATATTTATCCTCTTTCCCCACTTGTGTTTCTTTGTTTCGAATTA  
TTAAGAAAGTGATACATAATATCCT

>trans\_c\_1661 XM\_002869040|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADPH-dependent thioredoxin  
reductase 1 (NTR1), mRNA

AAAAAACTAAAAAAAAAGATAAAAGTAGAAATAAAAATCAGAATGAAAAGAGGCTTTGGCTTTGGAGGGAA  
TGGAATAATAATAAAGAGGGTTGAATACCATTCTAGCTTACTGCGAAAAGCGCTATATTCAATTCGCCGC  
GCCTCTGTCCCTCCTTCTCCTATATCTTCCGCTCCCATCTCCTCCAAGTCAACGACCTCAGAATCAATGGCGGAT  
GCTACCGAGACTCTTAAACCAAGCTTTGCGTTATTGGAAGTGGCCCTGCTGCCCACACTGCTGCCATATACGC  
TGCCCGCGCGGAGCTCAAGCCTATTCTCTTCAAGGATGGATGGCCAACAACATCGCCCCGGCGGCCAGCTC  
ACTACAACAACCGACGTTGAAAACCTCCCTGGATTCCCCGAGGGCATTCTTGGCATCGAACTCATGGACCGTT  
GTCGCAACCAGTCGCTTCGCTTTGGCACTCAGATCTACTCCGAGACCGTAACCAAGGTCGATTTCTCATCCAAG  
CCATTTAAGGTCTTTGCTGATTCAAAAACCGTCCTCGCCGATTCTGTGATTGTGCGCACTGGTGCGGTTGCCAA  
GCGATTGACATTTCTGGCTCCGCGCAAGGGAATGGGTTCTGGAATCGAGGCATTTGCGCTTGCCTGTCTGT  
GATGGCGCTGCGCCTATTTTCAGAAACAAGCCCTTGGCGGTCATTGGGGGCGGAGATTCCGCCATGGAAGAA  
GCCAATTTCTCACCAAGTATGGCTCCAAAGTGTATATTATCCACCGAAGAGACATTTAGAGCTTCCAAGAT  
CATGCAACAGCGCGTCTCCAGCAACCCTAAAATCGAGGTGATCTGGAATTCGGTGGTTAAGGAAGCTTATGG  
CGACGCTAACGGGCGAGTCTGGGAGGTCTGAAGGTCCATAATCTGATCTCCGGAAGGTTTCTGATTTGGA  
AGTTTCCGGATTGTTCTTCGCTATTGGTCACGAACCAGCCACCAAATTCTTAGCTGGACAACCTCCAACCTCGATT  
CTGATGGGTATGTGTTGACAAAACCCAGGACGACGCAGACC

>trans\_c\_1662 S79358|arabinogalactan-protein [Pyrus communis=pears, cell-suspension culture filtrate, mRNA Partial, 1040 nt]

[illegible]

>trans\_c\_1663 XM\_002875304|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

AAACCAAATGAGAACTACGATTTAATCGTATGTTGTGATGGGAGCAAATCTAGGGTCTTTCTCATTTCAAGA  
TCTCTTCCCGCGATTCTTTAACCTCTCTCTTCTCTTTAAACAATTTCTCCATTTAAAAGATAAAGCTTCTGATTC  
CTTACATCTCTCTCCGCATCTTCTTTACTCAGGTTTTGCTGTTTTTCAATTCCTCTAGGTACCGGTAGATTGCTTG  
GGTGATTTTGTGTGGGAGGATTTTTCAGGGGAAGTTGCTACTGGCGATGAAGCTGGTGCTTTACTGGTAGAC  
CTCAAATGCCGGACGAAGATTTGATCGAGCTTAAGTTCCGACTTTATGATGGATCGGATATCGGTCCATTTCTG  
TATTTCCCAACTTCAACTATAGCCATGGTTAAGGAGAGGATTGTTGCAGAATGGCCTAAAGATAAGAAAGTTA  
TACCCAAGGCAGCAAATGACGTA AAACTGATCAATGCTGGCAAGATTTTAGAAAACAACAAGACTGTTGGTCA  
ATGTCGAGTGCCTTTCGGTGATCTTCTATAGGAGTTATTACTATGCATGTCGTGGTTCAGCCAACTATAGCAA  
AAGCAAAAGCAGAAAAGAAGGTTGACGAGACCCCAACAAAAAACGTATGTTCTGTGTTCCATATTGTAGGAAG  
GACGGATGAAAGGTAAGGAAGCTTGAGATTTGCCAGGGGCTAGTTCAGCCAGCCTAATTGGGGTCGCATTA  
AAGTTGTAGCTTGCAAGAGAATATAATATCAATGTATTACAAAGTTGCAATGCCTGATTAAATTACATGGTTCAT  
TTCTGGATGATCCTGCGTGTCAACACGAATATGTAATATCGTGTGAGTCTATAGAATGAGTAGTAGTCTGAAG  
TATGTAATGTAGGCAGGTTTCGATTGTTTCAAAATTATTTTACAGAAAGAGATGAGGGGTCGACTTTGATCCC  
AAGATTTGTACGTCATACATCTGAATTCAGCACGTGTAAAACTAAACCAAACCTGGACCTCCATAATTTCTAC  
AGTTAATGTTTTTGAATCTTTACTCTGCCCCC

>trans c 1664 AY542886|Glycine max DREBa transcription factor (DREBa) gene, complete cds

TGAAGTACGAGTTGTTAATTTAATCAATGCGGTGGTTTGGGGCCTAGGGTTTCCCGTTCGTCCGCTTTGCCGT  
CTTCAACGCGACCGTCTTCAGTCTCTGAATGGCACTTTAGAAACCGAATGTCCGTCTTTGTTCTACGTGCGAA  
ATTTAGAAACTTCTTCACTCCACAAAAAGAGGTTTTTTTGTGGCCTATCCGATTTGTTCAATCCAATCGAAACAA  
TTCTTGGATGCCTAAATTAGGAAACTACAAACAAGACTGCCTGGTCTTTGTCTGTGGCTGACACTCTTGCAA  
AATGGAAAGATTACAATGATCACCTTGATTCATGTACCGATGAAGCAAACTTGCTCGTACAGTTCCAGCCAA  
AGGATCGAAGAAAGGCTGCATGAAAGGTAAGGGAGGGCCAGAGAATATGCGATGTAATTACAGAGGAGTTA  
GGCAAAGGACATGGAGGAAGAGGGTTGCAGAAATTCGAGCACCGAAAAGAGGAAGTCGGCTCTGGTTGGG  
TACATTTCCAACCTGCGATTGATGCTGCACTTGCTTATGATGAAGCTGCAAGGGCCATGTATGGCAATTTAGCTC

GCCTCAATTTTCCCAATGTCTCAATTCCAACCTTGCTAAAAGAAAAAGAATTATCAACAAAGGATTCTCCTGAT  
GAAATCAAGAGGTCTTCACTCTCTTTTTTTAGGTTCAACTTCACTTAGTCTGAATTCTGAATCCACAATAACATC  
AGATCACTCTGAGGATTGTGCAGTTGAAGATGTCTAGCGAGCTATATAACATTTGATAGCTAGCATAACCTTT  
GATCACTGTAAAGTTTGTGAATTGGGGAATTGAGACCAGGGACCGATGTTTTTCAAAAATTAATGTAATTGC  
TTTTCTGTGCAAGTATATCTGGAAATAGGGTTGATTGTAATATTATTTTCCTTGTTTATCATAAGTACAAGTCA  
GGGTTAGAAAAGATGAACTGAAGATGAAATTCAGTGGAACTTTTCTAATTGAAACATTCTAGTGAGAGGTTA  
GATGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1665 AF203882|Astragalus sinicus dynamin homolog (DH1) mRNA, complete cds

CAAAGGATAAAAAGGCTAATGGGCCAGATTCTGGAAAAGGATCAAGTCTTGTTTAAGATTACCAGCAAAG  
TTCCATATAAACTGTTTTAAAAGCCCATAGTGCTGTTATTTTGAAAGCGGAAAGTGCTGCAGACAAGGTGGA  
ATGGACAAACAAGATACGCAATGTCATTCAACCATCCAAAGGAGGACAGACAAGAGGAGCATCCTCCGAAGG  
TGGTCTTACCCTGCGGCAGAGTTTATCTGATGGTTCCTAGATACTATGGCTCGAAAACCTGCTGATCCTGAAG  
AAGAGCTGCGGTGGATGTCTCAAGAAGTTCGTGGTTATGTTGAGGCAGTTTTGAATAGTTTGGCTGCAAATGT  
TCCCAAGGCGGTTGTGCTTTGTCAAGTCGAGAAGGCAAAGGAAGACATGCTTAATCAATTATATAGCTCGATC  
AGTGCCCAAAGCTCAGCCAAGATTGAGGAGCTTCTCCAGGAGGATCAGAATGTTAAACGAAGGAGAGAACGT  
TATCAAAAACAATCCTCTCTCTTTCAAACTTACTCGTCAGCTCAGCATTATGATAATCGTGAGCTGCTACT  
GGTTGGTCCGATAGTGGTTCAGAAAGTAGTCCCAAACTAGCGGATCACCTGGAGATGAATGGAGATCTGCA  
TTTGATGCTGCTGCTAATGGTCGGGCTGACTACAGAAGATCTTCTTCCAATGGCCACAGTGATGCCACACAAA  
ACGGTGACATAAACTCAGGTTCAAACCTCCAGCAGCCGTCGTAATCCAAACCGATTGCCACCAGCACCTCCGCA  
GTCTTCTTCTGGCTCCAGATACTTCTAGCATGGCATCAGATCTTACTTGATGATTATGTTCTACTACGAC  
ATTGGGTGATATTAAGCTCCACTTCATGATTCATTTAGTGATCTCCTCAAGTTCATATTCTACTAGAACTTAAA  
AAGTGGAGAGAGGTTTGTGTATATACGACATTTCTTAGTATCAGGTTATACTGTTGTCTTCATTATTAATA  
CAAGACTAGATTGAAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1666 NM\_119032|Arabidopsis thaliana ckl3 (Casein Kinase I-like 3); ATP binding / kinase/  
protein kinase/ protein serine/threonine kinase (ckl3) mRNA, complete cds

CAGTGGAATTCGCTTCATACTTCCATTACTGTCACTCTCTGACATTTGATCAGCGACCTGATTATGGATTCTTAA  
AGCGATTGTTCCGTGACTTGTGTTGCTCGTGAAGAATATGAATTTGATTATGTTTTGACTGGACAATCATAAAA  
TACCAGCAGTCACAGAAGAACAGAACTCAGCCACGAGTATCTCCGGTTGTTGGTGGTACACATAATCATCATG  
CCACACCTATGGAAGGGGAAAATCGTCAAGGTGGGTTTAATACCTATTCATCAGCAGAGGTTACGGATCGTGT  
TAGATCTGATAATGTTTCAAGCCCCGAGTGCGACTGCATTTCAAACAACCAACTCCAAAGAATTTGAGTTCTG  
ACAATGCTCTTGACATGAATGCTCTAAATGATTCTCGCATGGCTACTTCATCATTTACACCTGCTGGTAGCTCAA  
GAGGAAATCTTCTAAACCGTTGCAGTCAACCGAATCTCCAACCGTGACAGGGAAATGGTCACAGGATTGG  
CCCTTCAAGTAGCTGGATTTCATCATTACAGAGAATCTCATCTGCCAAGTGATCAAAATGATCTGGCCAGGACA  
CTATTCTAAGCTCTACATCTATGAAGCTGCAAAATTGTGATGATTGATGTTATCTTTTTGCAATGTAATTGAAGA  
GATTCTGATGATTTATTGGCAGAAGCTACAACATGCTTGCTCGTAAAATGTGTTAGTCCCTGAACTATTGCAAG  
CTCAATGTTATTCTTTTTTTGCAAAGGTGACTAAAATGCTTTGGTGGTTACAGAATCCAACCTTTCTAAAGCA  
TGGCTTCTGCTGTGTAATAAGAAGTGAATCACAGCAATCTTGACCTATGGTTCTATGTAACATTACTCGTGTG  
AAAGAATGTCGTGCTTTTTAACCAATTTTTGTTACTATACTTTTAAAGATTCTTTTGAAGGCAATATCGATGGG  
TAGTACTTGTTTCATATTGCCAATAATATCTCTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1667 AB232322|Arachis hypogaea plda2 mRNA for phospholipase D alpha 2, complete  
cds

TCCAAAGGAACTTTCTCTTAAGATTATGAGTAAGATTGAAGCAAGAGAAAGGTTACAGTGTACATTCTTGTTCAATGTGGCCTGAAGGATTTCTGAAGGGGGAACAGTTCAGGCAATATTAGATTGGCAAAGGAGAACAATGAAATGATGTATAAAGATATAGTTCTAGCTCTTAGAGCTAATGGGGTTGAAGAAGATCCTAGAACTATCTGACATTCTTTGTGTGCGGAATCGTGAAGTAAAAAGCCTGGAGAATATGAACCATCAGAATCACCTGATGAAATTTCTGATTACCTTAGAGCCCAGCAATCTAGGCGCTTCATGATTTATGTTTCATTCCAAGATGATGATTGTTGATGATGAATACATAATAGTGGGATCAGCCAACATCAACCAAAGATCAATGGATGGTGCAAGGGACTCAGAGATAGCAATGGGAGGTTACCAACCATATCATTTGTCAGCTAGAGAGCCAGCAAGAGGCCAAATCCATGGCTTCCGTTTGGCATTGTGGTATGAACATTTAGGATTGCTTCATCAATCCTTCTTCCCAGAAAAGTATTGAATGTGTTAAAAAGTAACCAACTTGCTGATAAATATTGGGATCTATACTCGAGTGAGACCTTTGATCGTGACCTTCTGGCCACTTGCTTCGCTACCCCATCGCGGTCTCCGCTGACGGTCAAGTTACCGAGCTTCTGGGTTCCAGTTCTTCCCTGATACTAAGGCGCGAGTTCTAGGTAACAAATCTAATTATATCCCTCCAATCCTCACTACTTGAAGGCAAAAGTACCCCTTTTTACTAACTGTTCTAAAGATGAAAAATGCTGGCTTTTCTGCTTTGTGATGGGAAGGCAAGAAGTCTTCA TGTGTTTTTATGATAATGGTTTGATGTTATGAATGTGACTGAAGTTGCTTATAATAAAATGTTGGGTTATTTGTTGTATCATTTTGAATAATTTATACTCTTAGTGATTCATTAGTCATAAACTTAATGAAAAATAGAACCAAGTTAT TAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1668 BT010430|Arabidopsis thaliana At3g01410 mRNA, complete cds

ATTACCGCTCCTTCCACTTCTTCACTCTACGCTAACTCTTTTTCTTGTCTCTATTATTATCTTTCTATTCGCTAGG GCTCTCTATCATCTTCTACTTCTACGCCAGATCAGAATTGACTTCCTTTTTTTTTGTGACATTTGAATGTGGGT GTTATTTATTGAAGATGGAGGGAGATAAAGATGCATATTACGTTGTACAGAAAGGGGACGTTTTTGGATTTTA TAGGAGTGCGAAGGAGTTGGTGACTCAACATGGACGTTTTGATCCTAATGCAACGATCTACAAAGGGTATCA CTTATCTAAAGAAGCAGAAGAATATCTCGTATCACACGGACTTCAGAGTGCCACCTACTCTATAAGTGCTGCCA ATGTGACAAAGGATCTATTTGGAAAAATACTTCCTTGTTCCTTATGAGCAACCATCTACTACTAGAGGAAAA ATGGCTGAAGAATACCCCAAAGCTGAGAGACAAGAACGAGTCCTCAAGAATACTGAATATACCTATTTTCTTG AGTTTGATGGTGCCTCAAAGGGGAAATCCTGGGCTAGCAGGTGCTGGAGCTATTTTACGTGCTAACGATGGATC TACGGTCTGTAGGTTGCAAGAAGGGGTTGGGATTGCTACATGTAATGTTGCTGAATATCGTGCTATAATTTTA GGACTGAAACATGCTTTAAAGAACGGCATTAAACACATTTATGTCCAAGGAGAATCCAAGCTTGTTTGATGC AAGTTCAGGGTCTATGGAAGCTCAAAAACCAAAATATGGCTGAATTATGTAAAGTGGCAAAGGAGCTTAAGG ATAAGTTTGTGTCATTTGAGATCAGCCATGTCCCTAGGAACCGAAATTCCGATGCCGATGCTCTAGCGAACCG CGCTATACATCTCCAAGATGGAGTCGTAAGACTGCATTCATAAATGAACTTCAAACATTTTCAAACGGT AGGCAAGGATATTCTCTGCATTAAGCTGCATAGCAAAGCTGAACAGATTGACACCTTATTTTGTACCATTGAA TGCTAAAGATACTTTGATCAACATTCTTATTTT

>trans\_c\_1669 NM\_121224|Arabidopsis thaliana NLI interacting factor (NIF) family protein (AT5G11860) mRNA, complete cds

ACTATGGCAGCTGAAGTTCATGTTCAAGATGATGAATATGAAGAAATAGATGATTTTGATCCTTATTTCTTCAT CAAGAATCTACCTGCTTTATCAGCGGTTGTCCCAACTTATCGACCTATGCTACTACCGAAACAGACTCGGAGTT GTCCTCCCACGACTCTTGTTTTGGACTTGGATGAACTCTGGTGCACTTCTACACTTGAGCCATGTGTGATGCT GATTTTACATTTCTGTAAATTTCAACCTCCAGGAGCATACAGTTTACGTTTCGATGCCGGCCTTATCTCAGAGAT TTCATGGAAGCGGTTGCCCCGACATTTGAGATTATCATTTTTACAGCTAGTCAGAGTATTTATGCAGAGCAGCT CCTGAATGTTCTTGATCCAAAGAGGAAAATATTTGACATCGGGTTTTCCGCGAATCATGTGTTTTTGTGGATG GAACTACCTCAAAGATTTATCTGTTCTTGGGCGTGATTGGCACGTGTTATTATTGTCGATAATTCTCCACAG GCGTTTCGGGTTTCAAGTGGACAATGGAATACCAATAGAGAGCTGGTTTGATGATCGATCAGATAAAGAGTTG CTTTTATTACTTCCATTTTGGAAACACTGGTGGGAGTTGAAGACGTGAGACCACTCATTGCTAAAAAGTTCAA

CCTTAGACAAAAAATTGCCGCTGCTGTTTATCCTTCACTGAATTCAAATAGAGACCCCTTTGAAATGCAAGCCT  
CTAATATGTATTAAGATTTTGTGAAGGTTGTTGGAATAAGAACTATCAATATTCTCCCTATTTAACTCATTGCT  
TTCTTCTAGAGTATTTTAGATTTATTTACTTTTCCCAATCAACAAGGAAAAAAAAAGTTCTTAGTTCAGTTGG  
AGCAACGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAATTCATAGTATCAGGTGCCAGTGTTTGATTGAGAGATGATGCA  
TATTCCTCAAATACTTGATAGGTGAGTTTTTTGGGAGAATATATAAATATATATTTCTTTCATGTGTACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1670 NM\_202853|Arabidopsis thaliana ZAC; ARF GTPase activator/ phospholipid binding  
(ZAC) mRNA, complete cds

AACAGGTTTTTGTCTACTCTCATACTCTCAACCATAACTTTTCCAAAAATCTCAGATATGATCCAATTTGTTTGAT  
CTCGTATTCCTTCGCTTAATCCCATTCTGATCCAATTTCTTTTGCTCTTTCATTAGTTTCCTTGGTTGATTTTCA  
ATCGATTGCGAATACCTGACATCCATTTTGGAGCACCATTTTCTTTTGTCTCTTCTACAGCTTGTTTGAATC  
CCCCGCTTCTATTTCTTCAGGCAATTTTAAGAAATTTTGTGTGAATCACTGATATTCAAAGGAAGAATGAGTC  
ATTTTCCAGGGGATTTTAGGAGACCTGAATCAGCTAAAGTAGATTGAAAGATTTATTGCTTCAGATAGATAA  
TCAACTTTGTGCGGATTGTGGTGCCCCAGATCCCAAATGGGCCTCTGCGAATATTGGCGTGTTTATATGCTTAA  
AATGTAGTGTTGTGCATAGAAGCCTTGGAACACATATATCAAAGGTTTTGTCAATAACGTTGGATGAATGGTC  
TGACGATGAGATTGATGCAATGATAGAGGTTGGAGGAAATGGTCTGCTAATGCAATATATGAGGCTTTTATC  
CCTGATGGATATACAAAGCCTGGACCAAGTGCCAGCCATGAGGAGCGTTCAAATTTTCATTGGTCTAAGTATG  
AACTTCAAGAATTTTTAAACCAAGCTTGCGAATTGTATCCAATAACTCCTCAAAGAGTTCTGAGGAGCCAAGT  
TATTTTCAAGAGATCACTGATAGCTTTTGAAGCTCAAATCTTCAAAGAAATCACCACAGGAAGGCATGGTTG  
AATTTATGGGAGAAATGAAAGTCAAGGTGATTAAGGCACAACTTAGCCGTGAGGGATGTGAAGACCAGT  
GACCTTTTGTACCTTAACTCTTGGACAACAGACCGCTAAAACGACGGTGATAAAGAGCAACTGAATCCAG  
TTTGAATGAGGAACTCATGCTTTCGGTTCCTCTGGGATATGGACCTTGAAGTTTGCAGTGTTTCGATCACGAC  
ATGATTTTATTTAATGACTTGATGGGCGA

>trans\_c\_1671 XM\_002893447|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata U-box domain-containing protein,  
mRNA

ATTGAAGGATGATGATGAAGCTCGAATTTTATGATGGGAGCCAATGGCTTTGCTGAAGCACTTATGGACTTCCTA  
ACTTTAGCTCTTATTGAAGAAAATAGTGATGCTCAGGAACTGGAGCCATGGCTCTCTTCAATCTTTAGTCAA  
CAACAACAGAAACAGGGAAATGATGATAGCGGCAGGCGTAATCTCATTGTTGGAGAACATGATTTTGAAATC  
CAATTTACATGGACCTGCAACAGCTCTATATCTGAATCTTTCCTGCCTAGAAGATGCTAAACCAATCATTAGTTC  
GAGTACAGCGGTTCTTTCTGATCCAGCTGCTTACTAGTAATGACGAATCCCAAACCAAGCTCGATGCACTTC  
ATACCTTTTATAACCTTTCTACCACACCTTCCATCATTCTGTTCTTCTTTCTGATGGTATTGTTGGCGGACTTCA  
ATCCTTCTCGCATCACCTAGTGACAGCATGTGGATAGAGACTTCCTAGCTATCTTAATGAAGTACTAGCTTCAA  
GCAAGTTAGGGATAGAAGAAATAACTTCAGCCCCGGAGCTTATAAGTGGAATTAGCAGCCATCGTTGATGTTG  
GGGAACGTGCTGAGCAGGAGCAAGCGGTATCATGCTTGTGTTTGTGTCAGAGGGAGTGAAAAATGCAGT  
CAAGTGGTCTTACAGGAAGGAGTTATCCGGGATTGGTTGCGATTACAGTAAACGGGACTTCGAGAGGGAAA  
GTAAAAGCACAAAACTTCTGATGTTGTTTAGAGAGCAGAGGCAAAAAGATACCGATATCACTCAACAGCGA  
GATGGAAATAGTGACACAGCCATGGCTGCTCCAGATCCCAAGCCACTATGCAAATCAGTGTCGAAGAAAAAG  
ATGGGGAAAGCGCTAAGCTTTTTTGCGAAGAGCAAACGATTTTCACTATACCAATGTTGAGCTCGTCATCCTTG  
TAAATGTTTCTGTATCATATGTATGTATATTTCTTTTTTGTCCACTGGTTTCTTATCCCTATCAAGTGTAACCA  
CTCTTAGTTTGTCTTCTGTTTAGTTTTTTTTCTTT

>trans\_c\_1672 AL161471|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 1

TAGAAGAAGTGATCATCGGTGGGTCGGTTAAATTGATTTTTGGATGTATTTTGATCGCTCCTACTCGATTGTAT  
TGGAGTTATGTTCACTTTTGCTATTCCAAATTCATTGTAGAGAAGTAAAAGTATGTAGAAGTGGACTTCGTCTT  
CTAAATCTTAGCTGTATGAAGTGATTGGTTGGTTCCATTAATTCTTACGCGGCTTCATCTTCTTCTTCTTCTT  
CTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCAACTTTCATTCTCTCCCAATGGAGTTTCTGAATCCAATTCTCTTTGTTCTCA  
TACTTTTTTCATCAACCATTCCAATTCTTCTTTTTCTCATTTCTCTCCCATCGATCACTACCTCATCGATTGTGGG  
TCAACCCTTAAGTCCACCGTCGATCATCGCATCTTCTCTCCGATTCTCCTCTTCAAGTTCATTTTTCTCTCTTC  
CCCCCGCTCTTCTCTCTCAAAAATCAACACCCATTTCAAGGTTTGCCCCCAATTTACAATTCAGCTCGCGTTTTC  
GAGATGCCATCCAAGTACGAGTTGCAGATCAATGACAAAGGCACACATATGGTACGTCTCCATTTCCAAGCTT  
TTACCTCTTCAAATTTGGATCTCATTCGTGCTCAATTCACGTTTTGGTTAATGGGTATGTGGTTTTGAGTAATT  
TTAGTGGTGTCTCTGCTGTAAACCTAGAAATTAAGGAGTTTCTTATCTGGGTTGGAACGAAACTCTTGAAATT  
ACCTTCGTCCCTGTTAAGAAATCGAAATTCGCGTTTGGTAATGCGATTGAAGTTATTTCTGCACCTAAAGATCT  
TGTTGCTGATTCTGCTAAATATTTGAGTTATGAACATAGTGGAATGTTGATGGGTTGTCCAAGGAAGGGCGT  
GAAGTGTGTATAGAGTCAATGTTGGGGGGCCTAAGGTTACTCCCTTCAATGATTCTTTTTGGAGGACTTGGG  
TTCCTGATGATGAACACTTTGAATCAAATGATGGATCAAAGAAAGTATATTCTAGTGGAAGAATTAAGTATCA  
AGAAGGTGGGGCAAGT

>trans\_c\_1673 NM\_127383|Arabidopsis thaliana ATCOAD (4-phosphopantetheine  
adenylyltransferase); nucleotidyltransferase/ pantetheine-phosphate adenylyltransferase (ATCOAD)  
mRNA, complete cds

ATGCTCCGCCGCCGCCATTTTTCTTTCTTTCTCTCACTGCTTCATCTTCTGTGGGGTATTTGTAGTTTTCTC  
CCATTCTTCTCTCAGCAAGGAACCAACAGCTCGCTCTTCTTCTTCTCCCACTTCTTAAGTTACAGTCATATATA  
ACTTGTGCTGTTTGCTCTATGCTCTGGACCTAGACGCGCTTGACGGGGACCAGCCAGTTGAAAATCGATTCCC  
AGTAGTCCCTAGAAATGGCTATCTCGGAGGATTCCACAATCAATTACAAAATCTCTCCTCCAAATTCATATGGA  
TCTGTGGTTCTTGGTGGTACTTTTGACCGATTACATGACGGTCACCGTCTTTTTCTCAAGGCTGCAGCAGAGCT  
CGCAAGGGATTGGATTTGGATCGGAGTTTGTGATGGTCCTATGCTAAACAAAAAAGTTCCCGGAACCTATA  
CAACCCATTGAGGAAAGAATGCAAAATGTCGTAAATTATATCAAGTCTGTGAAGCCCACGCTGTTGGTAAGCG  
TTGAACCTATCGTTGATCCATATGGTCCATCCATTGTGCAAGAAGGTTTGAAGCAATTGTTGTCAGCAAAGA  
GACGTTACCTGGTGGAAATATCGGTTAACAAGAAGCGATCCGAAAATGGCCTCTCGCAACTGAAGATTGAAGT  
TGTAGATTTAGTTACTGAGGAGTCTGGGGATGAGAACTGAGTTCATCAATACTAAGAAAGCTCGAGGCAGA  
GAAGGCTGCCTCTGCCTTACAACAACAGACAGAATAGAAACACAAAACCAAATATTATTACTCATGAAGCCAA  
CATTACATTATCTTGTCTTCTGAGTATTTATCAAACCTTATACACATTATCAATTAATCTTTAATATCAATGTGAA  
TCTCTAATTTATAGATATCTCGATATATTGACAGGGAAAAAACAACAAAAAATAAAAA  
AAAAACAAAAAATAAAAAAACAATAATCCCAACAAAAAATAAAAAAAGGGCCCCC  
CCGCCCCCTAAAAACTTTTTCAATCCCCCAC

>trans\_c\_1674 NM\_001072049|Oryza sativa Japonica Group Os10g0580900 (Os10g0580900)  
mRNA, complete cds

CTTTTCAACGTTTCCATCGTGCGACGTTGAAACGACGTCGTAAAAGGACCGTTTTTGAACAATTATCGGCAAA  
TTTATTGGGGGTGGTTAGCCGAAGGCAGCCAGCCATTGTAGAGTAGCGAAAAATACGAACCTTGTGTTTGTG  
GCCACCACACGTCTGAACCTGCTCCTTCTCTTCTTGGCTGAGATTTCCGGCTTCAATCACTCGCCTAGATTC  
ACTTCTTCGGAAAACCTTGTAAAGTAGCAGGAATGGACTTTATATTAAGAGGAATGAATGATGAGGCATCT  
GGTTGCTACTCTAATGAAATGGACATTCAGAGATGCCCTTCTCAGGAATATCAATAAGCCAACCTGCTTTTC  
CTTCTCCACCTTGACTTTCAACTTCCCGTTTCGAGGAGAAAAAGGGCCAATTTTGGAGGATGGTCCTAATTTTG  
ATACAGCATTTAAGCTTTTTCATGGTAAGATGGAGTTGTTCCACTATCTGAGAGATCTGGCTTTGATAAAATA

TCATTAGAACCGGAGATGGCTTCTCATTTCAACCCCTTGGCAGCAAAAGCTGCAACCATCAGTCTGTCAGCTTT  
TGGACCAGGAGGGCCATTGAGCTTCGGTAGCTTCTCTGAGAAATGGAAGAAACAAAAGTCTGAGGCATCCAA  
CAAGAAAAATAATTCGTACAGAAAAAAGGAAATTCATCCAAGCACGAGGCTCTTGAAATGAGTGGTTGGA  
AACAGGAAACTGTCCAATTGCCAAGTCTTTTAGAGCTGTGAGCGGAGTCCTCCCACTTGTTGCAACAGCTTTTC  
AGCTACCACCTGGTATGAAGCTTAAGTGTCCACCAGCTATAGTTGCTGCGCGTGCTGCCCTTGCTCGTACGGC  
ATTTGTAAAAAATCTGCGTCCTCAGCCACTTCCTTCGAAAATGCTCGTCATTGCGGCCTTAGGCATGGCGGCAA  
ATGTTCCAATTGGGATATGGAGGGACACACTCAGAAGTTTTCATTTTCATGGTTTGTGGCCATTCATGCAGCTG  
TGCCCTTTATTGCCATGCTTCCGAAATCTGTCTT

>trans\_c\_1675 NM\_123430|Arabidopsis thaliana SDH2-2; electron carrier/ succinate  
dehydrogenase (SDH2-2) mRNA, complete cds

TGACGGATAGCGCAAAAGCTTGAGATTTCCACACTTCCTTTCTCCTTCCGATAGGTTTCTCTTTTTCTTGAGG  
CAACAATGGCCACCGGAATCCTGAGGCGGGTATTATCTAGGGTTTCTGCATCTTCACCTTCAAGTTTCGTTCGA  
ATTCGAGCTCACGCTTCTGAAGCTGAAGCTCAGCAAGTCGAGCAAAAAGCGACCGCCTCGTCGAACCTAAAG  
ACATTCGCAATCTACCGATGGAACCCCGATAGTCCTTCCAAACCAGAGCTTCAGGAGTACAAGATCGATCTCA  
AAGAGTGCGGCCCAATGGTTCTTGATGCGCTTATCAAAATCAAGAACGAGATCGACCCGTCTCTTACCTTCCG  
CCGCTCGTGCCGTGAGGGGATCTGCGGTTCTGTGCGATGAACATCGACGGATGTAATGGGTTGGCTTGCTT  
GACCAAGATTCCCTCTGGAGATTCTCCACGATTACGCCGCTGCCTCATATGTTTGTGATCAAGGATTTAGTGG  
TGGACATGACCAATTTCTATAACCAGTATAAGAGTATTGAGCCGTGGTTGAAGAGGAAAAAGCGAACCGCCTG  
TACCCGGGAAGGAGATTCTTCAGAGTAAGAAAGATAGAGCTAAGTTGGATGGAATGTATGAGTGCATATTGT  
GTGCTTGCTGTAGTACATCATGCCCCAGCTATTGGTGGAACCCGGAGTCTTATCTTGACCAGCCGCTTTGCTC  
CATGCCAATAGGTGGATAAGTGATAGCCGTGATGAATATACCAAGGAACGACTTGAGGCAATAAATGATGAA  
TTCAAGCTCTATCGTTGTCATACTATTCTGAACTGTGCCCGTGCCTGTCCAAAGGGTTTGAACCCTGGAAAAACA  
GATCCAGCATATCAAAAGTCTTCAGCTTCTGGGTTGAGCCTAAGTTTTTAGGTACAATGAGGCATAATAATGG  
TCTTTTGATTGAGTTATCGGTTACAGTTATCGGTTATATGTTGAGGACTAATGAACGGTGTGGGTTTGATTAA  
TAATTTGTGGATCATTCACCTATCACCCATTCTGTACTT

>trans\_c\_1676 AB232685|Panax ginseng mRNA for ribosomal protein S4, complete cds

CGGCGGCCGCGATCTTCTCTCATCTGCTCCGTGGAACATCCCGTTTCGACAACATGGCGAGGGGATTGAAGA  
AACACTTGAAGAGGCTGAATGCTCCGAAGCATTGGATGCTCGACAACTCGGTGGTGCATTTGCCCCAAACC  
TTCATCAGGACCTCACAAATCAAGAGAATGTCTCCATTAATCCTCATATTGCGAAACCGATTGAAATATGCTC  
TCACATACCGTGAGGTTATTGCAATTTTGATGCAACGCCATGTTTTAGTTGATGCCAAGGTCAGGACTGATAA  
GACCTATCCAGCTGGTTTCATGGATGTTGTGTCCATTCCCAAAACAAGCGAGAATTTCCGGCTTCTCTACGACA  
CAAAAGGTCGTTTCCGTCTTCACTCAATCAGGGATGAAGAGGCTAAGTTCAAGCTTTGTAAGGTACGCTCAGT  
GCAGTTTGGGCAGAAGGGAATACCTTATCTGAACACTTACGATGGGCGTACAATCCGTTACCCTGATCCTCTA  
ATCAAGGCAAACGACACCATCAAGTTGGACCTTGAGTCAAACAAAATTGCTGATTTTATTAAGTTGACGTAG  
GAAATGTTGTGATGGTGACTGGTGGAAGAAACAGAGGGCGAGTGAGTAATTAAGAACAGAGAGAAGCA  
CAAGGGAAGCTTTGAGACCATTACATTCAGGATGCAACTGGGCATGAATTTGCCACTCGGCTTGGAATGTG  
TTTACAATCGGGAAGGGGACAAAGCCATGGGTGTCCCTCCCTAAGGGCAAGGGTATCAAATAACCATCATT  
GAAGAAGCCAGGAAGAGGCTTGCTAGCCAAGCAGCAGTTACCGCTTAAGAGTTCCGAGTTATTACTAAATTG  
TAGTCTCGAGTTTTTTAATCATTTTTGGTAGACACATACCTTTCTCGAATTTGCTCTCTTATTATGGCTAAGTTG  
TATTTTGAGACAATTTATTTCTACCAGAATTATCGGTGAGGTCGTTGCTTCTTTGATTTTGTTTTAAAAA  
TTTGGCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1677 NM\_104029|Arabidopsis thaliana Y14; RNA binding / protein binding (Y14) mRNA, complete cds

TTGGGTTAGCGGGCAAACAAGAAACCCTTGTTTCGATCCCCAAAACCCCCCACCTTTCTCCCATCTTCTTT  
CTTCTTCTTCCCTTCCCCATTTTTGAAGAACCAACCAGCACCTCTGACCAACATTTGCTTACCCATGGCCAGCGC  
TGATGTAGAGGCTGTCGACTTTGAACCTGAGGAAGATGACCTCATGGACGAGGATGGAGCCGCCGAAGCCG  
ATGCCTCCCCACGAGCTCCATTTCTAAGCTCAAATCCGCCATTACCGGCGGCGCATCTTCCTCGCTTTCTGGTG  
GTCCAAAGAAGACTAAGGGTCGTGGATTTGAGAGGAGTCTGATCGAAACACCCGCCTTGCTGGGTGGGACT  
TCGATTCCTCAAGTCTGCCGATGGCCCTGGCCCCAACGATCTATTGAAGGATGGATCATTCTGGTAACTGGT  
GTACATGAAGAGGCACAAGAGGATGATCTACAAAATGCATTTGGTGAGTTTGGGGAGATAAAGAATTTGCAT  
CTAAATCTCGATCGTCGTAAGGTTGTCAAGGGATATGCGTTAATCGAATACGAGAGTTTTGAGGAAGCAG  
AGAAAGCAATATCTGCCATGGATGGTGCTGAACTTCTGACCCAAATTATCAATGTTGATTGGGCATTAGCCA  
TGGACCATCAGAAGGAAGAACGCAAGGCCTGCTCGAGAACGACGTTGAGGAGCCCTAGGAGAAGATACT  
GATCTTGAGGTGTAGAACTCGATGTGTGGTGTTTTTGGATTTTAATTGGAAAGGTGTTTTCTTGTTGGATTGG  
ATTAGGAGAAATGTTTCTACTGAGCTCCTACTCAATTATCTCAAGATTCCTTGTTTCCAGCCTTTGTTTCTCG  
ATCGTTGATGTGAATTGATGAATTGTATGTAAGTATGAGGATTTGAGGTCCATGATTTTCTTTTTCTTTCTTTT  
TTTTTTTTGGATTAATTGAGGTCTTTTCCATTTGTGTTGAATATCTGCTATTATATATATATTTTTTGTTTTAAG  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1678 AB055116|Cucurbita maxima Puga mRNA for glutathione S-transferase, complete cds

TCTATGCTTTTGTTCCTTTTGTCTTCCGCACTTATTCATTTACCCTTCTCTCTCTTAAAGCTCAAATCTT  
CGTTTTCTCAATTTTCTATCCATTTGAGTAACAATGGGAGAGGAAGTGAAGCTATTAGATTTCTGGCCCAGCAT  
GTTTGGGATGAGAGTTAAATAGCTCTGGCAGAGAAGGGTGTGGCGTATGAGTATGTGGAACAAGACCTCA  
GAAATAAGAGCCCTTGCTTCTACAAATGAACCCAATTCACAAGCAGATCCCAGTTCTTATTACATAATGGAAAA  
CCCATTTGTGAATCTTCCATTATTGTTGAGTATATTGATGAATTTTGAAGGATAAAGCTCCTCTGTTGCCGGC  
CGATCCTTATGAAAGAGCTCAGGCCAGATTTTGGGTGGATTTCATCGACAAGAACATTTATGAAAGCGCGAAG  
AAGATATACACGAAAAAGGGAGAGGAGCAGGAGGGAGGGAAGAAGGAGGTTATAGAAATACTGAAGCAAC  
TGGAACAAGTTCTAGGGGAAAAGGCTTATTTTGGAGGTGAATGTTTTGGATATTTAGACATTGGTTTGATTGG  
ATTCTCTTCATGGTTTTATGCATATGAGACAATTGGGAATTCAGCATTGAGGCTGAGTGTCCGAAGTTAATAA  
GTTGGGTGAAAAGATGTTTGGAAAAGGAGAGTGTCTAATTCTCTGCCTGATCCAAAAAAGGTTTGTGAGT  
CTTTGCTTCAATTTAAGAAAAGGTTTGACTAAACAAAACCTGCATCCTATCCTTTACCGCTGGAGATGCTTCTAC  
GGTCTTCGTGGTTTTTGGTGAGTTTTTCTCTACTTGTGAGAAGGCTTATTTGTTGGACTTTTCTTGTTTTGG  
ATGCTCCTCTTCTTTTAAGAAGAATTACTTTCTCCTTTCTAGGTTGTCGGAATGATGCTTTTCAAACAAATAA  
ATAAACAGTTCATTTAATTTGCAATGTTGTTGTTATTATTACTATCATTCAATAAATGTCATGTGCCCTTTGC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1679 XM\_002310408|Populus trichocarpa glutathione peroxidase (PtrcGpx2\_1), mRNA

ATTATTACCAATCTAATCTATAGATGGAAGGAAATTGAAATGCTTTGACAAAACCGTGTATCGAACAACGGC  
GTAGAGGTTGCGTTGAAAATTTGAACGTTGAAATCTTTCAAGAAAATGCAGATTTTTAAATTCTTAAATTGGA  
TCTCCTTCTTCTCTCTGTTTCTCTCTTTTATTACTACCGCACTGCCCAAATCTCTCCCTATTTCTTCTCAATA  
TGGCTCAAGATTCCTCCAACCTCCGTTTTTGATTTCACTGTCAAGGATATTCGTGGGAATGATGTGAGCCTTAGT  
CAATACAAGGGGAAAGTTCTTCTGATAGTGAATGTCGCTTCTGAGTGTGGTTAACGAAATCAAACCTACAAGG  
AGCTGAATGTATTGTATGACAAATACAAAATCAAGGTTTTGAGATATTGGCATTTCCTTGCAATCAGTTTGCA  
GGACAAGAGCCAGGAAACAATGAACAGATTGAGGAACTGTATGCACAAGGTTCAAAGCTGAATTCCTCATC



TTTGATAAGGTTGACGTTAACGGGAAGGATGCAGCACCAATATATAAATTCCTGAAATCACAAGAGGCTGGC  
CGTGGAAGTATTTGGCGATGCCATCAAGTGGAACCTCACAAAGTCTTAGTGAACAAAGAAGGGAAGGTAGTT  
GGTAGATATGCTCTACCACCTCGCCTTTCAAGATTGAGAAAGACATCGAGAATCTATTGCAATCTGCTTGAAA  
ACAAGGTCAGGAACCATAACAAATGAACTCCAAAAGTGCTATTTACATGGCTTGTTAGTTATGGGATTGCGC  
TTATAAATGTTTGTATGAACATGATTATATTTCTCTGAACCTTGACATATATACAGTGTTACGTGGTGAAA  
TTTGAATTTTATTTAAGAGGTCTTCATTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCC  
CCCCCAAAAAATTTATCAATACCCCCAACCCA

>trans\_c\_1680 BT002725|Arabidopsis thaliana At4g29790/F27B13\_30 gene, complete cds

TGAGGAAGTTGCGATGGACCAACTTGTTGAGATGGCTTACAATAAGAAAATGGGGTATCGTGCGAGTACTGG  
CTCTAAAAGTACAGTTCGCAGGGTCTCAAATCAGCTGCCCCGTCCTTAATGCAGCGCACTCTTGCTAGATGTC  
ACAAATTTGAAGATACCGGGATTAGTTGTTTCAATGAACCTGCATTGCAGGATATTATTTTCTCTACACCTCCAC  
CGAAAAGGGATGCAAAAACAGTTGACTTTGGTGACTGTACAACCTGCTACTAATGCATTCTACGAGTCTTCCCG  
TCAGATGGACGATAGGAGACTGGGTGCTGTCTCGGGCCCATCCGAGAGATATGACTCACAGAGTGATACACT  
GGATAAAGGTTCTTCAAATGCTCAAGCCATTAATTCTTCTGAGCTAGTCTCGGTGCGTGATCCATGATGATTA  
AGCAGAAGAAGAGGGAAATGCGCATTGACGAAGTTGCTGGAAGTGCTTCTCCAGACTCACCCAGGCACGA  
AAGGCAAGAGAAGCGACAGAGAAAGGGACCCAAACAAAAACCATCCTCTTTCCAACCTCTTTGGCCCCATCATT  
AGATGGCTGCCAAGGTGTCCGAAGATCGAGGCCAAAGCCCCGGCAGAAAGGTAGTTGTTTGTCTGCTTCAGG  
AGCCAGATCTGAGATCCAACCTTCAGAAGTCCCAGAGTCGTTTACTTCTCAATCTTCTAAAATGGGAGCAAAAT  
TCAGCGACAGAACAAGAGGTATCGACCCGGTATTGCCTGCTAACTTTCTGGTAGGGTCTGCTAAAGATGCTGA  
CGAGTCAACTGGTTTGAGGAACCTGCAACTGCATGATTTAGATGCTATGGAAGATCTAGATGTGTGCGAAAGAC  
CTTGGTGATCATCAAGACCTTGTTCTTGTTGGATATTGATGAAGATGGGTTACAAGACCATGATGCTATCG  
GTCTCGAAATTCCAATGGATGATCTTCCGAGTTGAATATGATGGTTTAGACTGTAGCATTTATATACCCCAT  
ATTTAGGGTTATTACTGTACCATTGGCCCCAAGTTATT

>trans\_c\_1681 XM\_002323704|Populus trichocarpa histone acetyltransferase (HAF901), mRNA

AAGATTTGATAAAAGGGCTCTAGAAAAAGAACGTAGCATGAAAAGGAAGCCTATCGAGTTGGGAAGACATAT  
TCCAGAGCATGCATCAACAAAACGCCGTAGGGGGGGGAGAGGTTGGTCTGTCAAATATCTTGAGCGGATTGT  
GGAGACCCTCAAAGATAGGTTGATATTTCTATCTATTCTTAAACCTGTATCCAAGAAGGAGGCTCCAGACT  
ACCTGGATATCATAGAGCGCCCAATGGATCTTTCTACCATTAGAGAAAAGGTTAGAAGGCTGGAATACAAGA  
CCAGGGACGAGTTCAGGAATGATGTATGGCAGATAAAGTATAATGCTCACTTGTACAATGATGGGCGCAACC  
CAGGTATTCCTCCCCTAGCAGATCAGCTTTTGATGCTTTGTGACAATCTATTAACAATGTGATGAAAACCTTG  
ACTGAAGCAGAAATTGGAATCGAGTATAGGGATAATTAGGGGTGGAGTACATATCGTATTGTGCCGTTCTGT  
AGTATATACTTATAATGTAGTGAGTGAGGTGGAATCCTCATTTTCATGGCAGATAGTTTAAACAATATTCCATT  
CCATTCCATTCCATTAGAGGTCTAGGATGTTTCAGTGGCCATTTGTTGGGGAGAGTTAAAAGGGTATGAAGGAA  
AGGCTTAGAACACAACCATATGCTCATTAGAATGTTTCGCCGAAAAGATGAAAATAGATTGATTTGGGGGTTA  
GAACTCGTTGATAGAGGACCAACCTTCCTTAATGTACTGTAGCCATGTATATAAAACCCGAGTTGAAAATGTTT  
TTGGGTTTAATAGAAATGTATTTTATTGTTCCCATACTGTAAGTATAGTATGATTTTATTAACCCAGTTGAATC  
TTTTTTTTTTTTCCACCTTTATTCTACCGGCATGTTTTTCAGTAATTGACTACGGAAGCAGGAAAAGGAAACAGG  
GAAAATGTTTTTTTTCTTTATTTTATCTTTTTTGGGTTGCTAACTAACCTCATTTACACATTTTATTAGTGTGTTG  
TNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1682 NM\_113545|Arabidopsis thaliana glycosyl hydrolase family protein 27 / alpha-  
galactosidase family protein / melibiase family protein (AT3G26380) mRNA, complete cds

TATGGAGTTTCTTAAAATTGCTTCAACAAATTTTAGAAAGCGAATTGTGAAATGGCATTCCAGAGGTTTGGAG  
GCATCAGCTTCACCTATATTGGGTCTCACCAAATGTGCATATTCAGACACGACTGGTTGGATTACTAAAAGTGT  
CGATCAAGGTCTTGAAAAAATATGTTGGAAGGCAAATCCTGAACATGAATATCAAACACCTTTTTGTCTATATA  
AACGAGGATCCCGAGTTGCAATAGATAAAGAGGCAGCTACTCACCGCGATCAAGTGGAACTTCTATCATTTTC  
AACTAGCTCGGTGGAGGTTTGCCTGGATGCCACTCCCCAAAAGAAAGCATAGTTCTGAAGCGATCATGAGGGG  
GTCATTTTTCCCCTGTAAAAGGCATGAGAATCAGAAGTGGGATTATACGCTAATGGGACGTTGGCAAACCAT  
AATTCAGGGCATTGTGCAATTGTGAAGTATAAACAAGCCAAAGCTATTCCAACCGGAGTTCGCTCTTGGGTTG  
CAACAGGAAGGGGAGGTGAGGTATATGTTGCTTCTTCAATCTGAACAATGTGAAGACCGTTATATCTGCGAA  
GATTTTCAGACCTTGCCCAGGCACTCCCAGGCAAGAAATTGGGTCCGAATTCTTGTAATACAGAGAAGAATGG  
TCTGAAAAAGACTTTGGACTAGTCTCAGATTTAATTGCTGCACCGGTTGAAAGCCATGGGTCTGCACTATTTAT  
CATCAATTGTAGCTAGTCTAACTGCGTTATGAAAGCAGTTAATCGCTCTGGAATGTGCTTACATTCTCTTATCAA  
GTATCGATACATATGGCGGGAAAATAATAGGTGAATAACAGAGTTTCGTAAGTGTGATCAGTCAAAATCT  
TCTTTGAAGCAAATTCCTGGGGCTCTCATAAATCTGTACTTCGTACTTTTTGACATCAATCCAAGTTCTCTTCTCT  
CTATGTAAAACCTTCAATGGATGCTTAAACAATATGGGAAATGAAGTTTTTAAGTTAGACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1683 NM\_113832|Arabidopsis thaliana pectinesterase family protein (PME31) mRNA,  
complete cds

ACACTTTACTCTTTCTCCTTTCTTCTCTACCAAACCCTACGAAGGTTTTCTCTCAACATTTCTCCCTTTCTTGCTT  
TCTCAATCTCATCACTTTCTCCCCTCTCTTCTCTGATCAGTCACCAACGCGTGTGAACTCGTCGCCGTGCTATCAT  
CGGAGGCAGCTTCTCCGTTGTCGCATCGCGCTCGTGCCTCATTTAGAAGGAAAAAAGGGGATGCATGTGAAT  
ACGTCTTCTTTTCGTCAAAGCAAATACCCAACAATTCTCTTTTAACCGCTTGCCATGCTTAGCTTGCTTCCTGCA  
TTTGGCAGCTCAAATCCATGGAAGAACTAAGGATACTCTGTACCTACATTATGGAAGACAGTATTTGAAGGA  
TTGTTACATCGAAGGAAGTGTGGACTTCATATTTGGCAACAGCACTGCTTTGTTGGAGCATTGTCATGTCCACT  
GCAAGTCGAAAGGCTTTATTACTGCACAGAGCAGAAAATCTTCTCAAGAGACGACAGGTTACGTGTTCTTGAG  
GTGTGTGATCACAGGCAGTGGCGAGACTTCTTACGTTTCATCTCGGGCGACCATGGGGACCATTTGCAAGGGT  
GGTATTTGCTTACACACACATGGATGTATGTATCAAACCAACAGGCTGGGACAACTGGGGGAAAGCTGAAAA  
CGAGAGAACTGCTTGCTTCTACGAGTACAAGTGTTCGGGCCAGGGAGTTGCTCAATGAAAAGGTGTGTTG  
GGCAAGAGAATTATTGGATGAAGAAGCTGACGAGTTCATTCTGCATCGATTTATCGATCCCGACGTGGATAG  
GCCTTGCTATGCCAGAGGATGGCACTGAGGATTCCTTTTTCTGCTTAAGAATATGGGATCATTTTAAAGCTTT  
CAAAACAGAAATCAGCAAACCGTCAAGGTTTGAAAGTTAATTCACCAGTTGAAAAGTAGCTCATGTATTAC  
GACTTTTTATATCACTATTTCTCTCTCTCTCTCTATCTATATCTATTAGCTCATGTGTTACATGAAATTTCA  
TACCATCAATTTGTATAAATTTGTA

>trans\_c\_1684 BT025237|Arabidopsis thaliana At5g08160 mRNA, complete cds

ACACAACCTTCACGGTTCTCATGAATTCAGGAGTTTCAGATCTCACTTCGGGAATCTGATTTTGACATTTCTCAGA  
TTCAAAGGGCGGGATTTGGAATCCGCGGTGAGATCTGTATGTATTAGATTGAACAAGAAATGGGTTGCACAT  
TTTCTGGATTGAATGCTTTCTACGATGCTGTGAATAGCGGTGGTGATGTGTGGATCAATGAGAACAGATTCAG  
GATCGTTAGGCAGCTCGGTGAAGGTGGCTTTGCTTATGTCTTCCTTGTTAAGGAAGTGCTCGCTGATACATCTT  
CAGATGCTGTTCAAAGTGGTTTGCAGCAAGAAATTCAAGGACTCTACTCATCTTTCTGATGATGGTTCCTATGCA  
TTGAAAAAGGTGCTCATTGAGAATAATGAACAAGTGAATTGGTGAAAGAGGAGATTCTGTTTTCATCCCTGT  
TTAGTCATCCCAATCTACTTCCTCTTCTTGATCATGCTATAATAGCTACTAAGCCTACCCAAGAACGATCTTGGA  
ACCATGAAGCATACCTACTATTTCCAGTACATTTGGATGGAACGTTATTGGACAATGCAAAAACCATGAAAGG  
AAAAAAGGAGTTCTTCTCAACATCTGATGTTTTGCAAATATTCGACAGCTATGTGCGGGTCTCAAGCACATGC

ACAATTTTGATCCACCATATGCACACAATGACATAAAGCCTGGTAATGTTCTCATAACTCGTAGAAAGGGCCA  
GCCTCCTCTTGCTATATTGATGGATTTTGAAGTGCCCGACCTGCAAGGAGACAAATTAGCTCTCGTTCAGAA  
GCATTGCAGCTACAGGAATGGGCATCTGAACATTGTTCTGCTCCTTTCCGGGCTCCTGAGTTGTGGGATTGTG  
CAAGCCATTTCGGATGTCGACGAAAGAACTGATATTTGGTCTTTAGGATGCACGTTGTATGCAATAATGTATGG  
GGTATCTCCATTTGAATATGTGCTTGGCGAATCTGGAGGAAGCTTACAGTTAGCAATCGTAAATGTACAGATC  
AAGTGGCCGGCTGTACCAACTCCTCCATATCC

>trans\_c\_1685 XM\_002515518|Ricinus communis palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase,  
mRNA

CATGCGACGAGATTGGCTTGTTCTGTGATTGCAAACTGGTGAACTCTCACTAGGGCCTCAAGTGTCTGGGTG  
ATGATGAATAAGCAGACAAGAAAATTATCAAAGATTCCTGGTGAAGTTAGAGGTGAAATAGAACCTTACTTTG  
CAGATTCACCTCCCATTGTAGAAGAAGATGGTAGAAAACCTCCAAAACCTTGACGATGATAGTGCTGATTACAT  
TCGTACAGGTTTAAACCTAAATGGAGTGATTTAGATATCAACCAGCACGTAAACAACGTCAAGTACATTGGC  
TGGATACTTGAGAGCGCGCCATTACCAATCCTGGAGAGTCATGAACTCTCTACTATGACTTTAGAATACAGGA  
GGGAATGTGGAAGGGACAGTGTGCTTCAATCTCTTACTGCTGTATCTGGTGTGGTATCACCAATTTAGCGGA  
TGCCGGCGACATCGAGTGCCAGCACCTGCTTCGACTTGATAACGGAGCCGAGATTGTTAGAGGAAGAACTGA  
ATGGAGGCCCAAACATGCAACAACTTCGGAATGCTGGATCAGATTCCAGCCGAAATACTTAAAAGGCCAAAA  
TAAAAGAGGAAAGAAAAGAACATCAATTCAAGAAGCTATCTCGTAGCTGGAGTCTCTAATTGGCCACCCTTG  
TGCATTCATTGCTTGTTATAGAGTCCTGCTGCTGTTTCTTCTCCGATTTGAAAAAATCCCATATATTTAATTA  
TATGATCTTTATATATATATGTATATGTATATTTTTTTTTTCCAGTCCTCCCTAAACCATCTGTTTTCTTGGGGA  
AAAAAAAAAAGAACAGAAAAACATGCAGTTCCTATTGTAATTAGTCAATTCCTTTATTGTCCGCTCTACCCAT  
TGTCTCAACGGGAAGGTAAAAATATAGATAACACCTCTCTAATGTTTCGGTCTTTAGGTAAACGCTCTGGCTG  
ACTGTTCTGGGTTTTTCATTATTTGTCGATTTCTTTCATTCAATTAGAGTTGAAAATGTGTAATTTTTTTTCGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1686 AB506766|Carica papaya hsf mRNA for heat stress transcription factor, complete  
cds

CATCTCTCTTCGTTACTCTAATACATACATATTATATATATCGTCTCTTCTTCTTTCTTTTCTATTATCTTTCTT  
ATAATCCATGGCACAAAGATCGCTCCCCGCTCCGTTTCTACCAAGACCTATCAGCTGGTGGATGATCCTGCCA  
CCGACGACGTCGTTTCATGGAATCAATCTGGCTCTACCTTCATCGTATGGAAAACCGCTGATTTGCCAGAGAT  
TTGCTTCCCAATTACTTCAAACATAATAATTTCTCTAGCTTCGTCCGTCAGCTTAATACATACGGTTTTCGCAAG  
ATCGTACCGGACAAATGGGAATTCGCCAACGACAATTTCCAACGGGGCCACAGAGAGCTCCTCTCCAAAATCC  
GCCGCCGGAAGGCCGTCTTGATATCGACACCCATGCAAACCTGTTTCATCCCGTTAAATCCGGCGGCGGTGGCG  
GCAACCCTTCTCCCTCCAACCTCCGGGGAGGACATCGGATCCACTTCCACCTCCAATCCGGGATCGGTGGAGAT  
GGGAACCATCGCACAATTCGCCGATCTGACTGAGGAGAACGACAAATTAAGGAAAGATAACGAGATGTTGAA  
CTCGGAGCTTGTTTCAGACGAAGAAACAGTGTGACGAGCTGGTAGCTTTCCTGACGGACTACTTGAAGGTAGC  
GCCGGATCAGATCAACCGGATCATGAAACAAGAAGCGAACAATCGCGTTGCCAGTCAATGTAGCGAGGGAG  
GCGCTGATAACGGTAGGATCGAGGAGGAGGAAGAAGAGGAGGAGGAAGAAGAAGAAGCAGAAGAAGAAG  
AGGGCGAAACTCTGAACTGTTTGGGGTTTGGTTGAAAGGGAAAAAGGAAAAGAAGATGAAAAGGGGACG  
AGAGGAGAAAATGGGGTGCAGCAACGGTCCACATGCGAAAGCAATGAAGTCGTTGAGATGCACGCGCCGT  
TGATGAGGAGCAACTGAGGACCGAACGCGTGGAAACCAATCCCAATATTGGGAATTATGAAACGACGGCGT  
TGCATGGAAGTAAAGTTAAATAATAATATAACATAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1687 AY057731|Arabidopsis thaliana AT5g10780/T30N20\_50 mRNA, complete cds

CCGGACCATAAGCCTTCAAAAGGATCTGAATCTAAGCGTCTAAGTGAATCAACTCCGAACTCCACCATTGGAA  
AATCAGAAAACCCGTAATCTGAATGGAAAAGGGCAAGGGTTTGATGGTGGACGGCCGGCGATGGGCCGTCG  
ATTTCTCCGACAATTCTTCGTCGAATTCAACTCGCGATATTCCTGATCCTCCTGGTTTTACTCGTGCTTCCCAAG  
ATCAAGACGATTCCACTCTCAGCCGCCAGAAGAAGGATGCCGAATCCAATTGGAAGGCTCAGAAAGCTTGGG  
AAGTGGCCCAGGCGCCGTTGAAGAATTTGTCATGATGGGATTCATGATGTGGATGGCTGGAAGCACTGTTC  
ATTTATTTAGCATTGGTATCACATTTTCAGCTCTTTGGCAGCCCATAAGCGCCCTGCAAGGCGTTGGAAAGGTT  
TTTGAGCCTTACAAGGACAGTAAAGTAGATCTTCTTGACCTAAGTTGCTATTTATTGCCCTCAACCTCGGAGG  
TTTAGCATTAGGTGTTTGGAAGCTTAACACTTTGGGGCTTCTGCCAACACATGTATCAGACTGGGTTTCGTCTC  
TACCACCTGCTCAGGAGGTTGAATTTCCGGTGGTGGGATTTCTTTCGCTAAGATGCACAACACCATTTTGTCT  
TACTAACGACAGGGAAACCAACAGAGAATCATTGAGCCACTTGTTTCATGATCGAACTTCATGGATGGATGGAT  
GGATTGCTCGTGTTGTGCATGAACGTGATTATAAGTCTTTATATTACGCCTGCATGGATTGTGCTTGATCAAGA  
ACAATGTTAGAGATGTGCTGAGGGCACAGCTATTGTTTATGGTACTCATTTTTCTTTAAAAATTAGATCCTGCT  
AGTAAAAATTATTACTGACTGGTAAAACCATCCCATAGTATGCTAATTCCTTGCTCTGTATGCCCAAGAACAAA  
ATGCTTTACATGGAATATGGTTTAACATTTTTTTCTCTTTTGCATTATTTTTGAACAAATAAATCCTTGGAAA  
GTGATTGTAGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1688 BT025874|Arabidopsis thaliana At2g33820 mRNA, complete cds

AAAGAGGGAAGAAGAAGGTAATGGATCCAGGCGAATACGCAGCGGCTGCGGCTGCGGCTATAAAATGATCC  
TCAATCACCATTCCCCAAATGACACACCATTGATGCTCTCGCAACTTGGAGCCACATATTATCGAGTTTCTCCT  
GTGGGTTCCAATGGAGACTCGATGATACTCCTTGTTTTCCATTGATACCCTTACCCAGATACACCAATGGGGG  
ACACTTCCAGTTACAAAGATTACGTGCGCGGTCTGATTGCCGCGGTTGCCACTGTCGTTACCGGCCACCCTTTT  
GACACCGTTAAGGTAAAGCTTCAAAAGCATAATACCGAGTCACGGGGGATTACATATCGTGGTGGTCTGCATT  
GCACTGCTAGGATACTGAAGACTGATGGGGTGAGAGGACTTTACCGAGGGGCAACATCATCTTTCATTGGAG  
TGTCTTTTGAGAGTTCCCTTCTTTTCGGAATATATTCGCGACTAAACATTCATTGCAGGGAAGCGACCAAAAT  
GGTAGGCCAAGGCCACAAGTAGTAATTCCTTCGGCAGCTTATGGTGGAGCTATTATCAGCTTTATATTATGTCC  
TTCTGAGTTGGTGAAGTGATAGGATGCAAGTTCAAGGTACTGATTCTTCTTGTCCAGTTTCAAGTAGATACAGT  
GGTCCAGTCGATTGTGCCCTTAAAACAATAAAAACAGAAGGGGGCTACTGGTCTTTTCCGCGGAGGTTTTACAA  
CATTTTTAAGGGAATCAATTGGAATGCTGTATTCTTTAGCGTTTACGAGAATGTTGCTATTACATGCATTACAC  
AATTACATTCTACTTCAAATTCAAATGTCCATGGCAACTTAATGGACATGGGCATTGGGATTTTGACTGGTGGC  
CTTGGTGGTGTGGGTTTCTGGTTAGCTGTTTTGCCCTGGATGTTGCAAAAACCTGTAATCCAGACGTCTGCAG  
ACAAAAACGCCACCAGAAATCCGTTTCTAGTTTTGAGATCGATATATCGAAACGCTGGGGATAAAGGGATGTA  
TACAGGGATAGGTCCAACCATACTTCGTGCAT

>trans\_c\_1689 NM\_121025|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein  
(AT5G09880) mRNA, complete cds

AATTAAGTTTGGAAAGTTAAATAACATGCTGTTATTGCTTCCATAAAAAGAAAGCAATTGTTGTTAGGTTTCATC  
ATTTTATATTGATGGTACTTGAATTAACGGAGAAGAGAGAGGGCAGGTAAAGGTAGGGAGGATAGTGTAGG  
GAACTGCTCTTACACTTCATGTATTTGCTAACGTATTAAGACTTCATTTGATAACTGTTGGGTTAAAAATTTAAG  
TTTTTGAAATGCACCCCAATATTATGTTGTCCACTTTTTACTAATGTTTTCGAAAACATAAAGGGTAGCTTTTAA  
AAAAATAGTTTTTACAAATTTTGACTGAGCATCCAAATTTTCTTTCTAACAGTAATTAATTGGGAGAAAACAA  
ATCTAAATTTGAAAACTAGAAGCTAAACACAAATGTCCTATCTTTTTGTGTTTCTTCTGAACCTTTGTATCAA  
AAGTGATGCTCTCTCCACCTTTATATCAGAAGAGAACATACCTCTCGATTATATGATCAAATAGATGTTTGTTC  
ATTTTTTTCATCGTCTTTCTTTTATTATTTTTCAATGTGCAGAAATAGCGCGGGATGTGTGTATCTGCAGTAT  
GATACCGTGGAAGCGGCCGTAAATGCTCAACGTGCGATGCACCTGAGATGGTTCGAGGCAGACAGATATCA

GTTTTATTCATGCAACCACAGGTGTATGAAGCTAAGTTTATAGGAGCTTGAATGCCGTCTGTGGTCTTATCAG  
GAGATTCCTCTAAGCAAATCCATGCTCTATATTTCTTGGGTGACATCCCGTCTGTTCGGTCAATGTCTAATGT  
CTAATGTCTTGTCTTTCTGTAATAAGTGGGGTGGTTATAGAAGTACTGGTTAAAATTGCGTCAATTGTCTTGA  
TAGAAAAGTAAAACGTTTCGGTCTTTTTACATGGGGTGGATATTGGTAACTATTCTTAATTTCTGCTTTGTAA  
ACACCCAGTGTCAAGCGAATACTTTTTGTTGGCTTGGATGCATTTAGTGTGACTTTTCATGAACATTCCTCTTG  
TAATGCATTTTGCATTTTGTAC

>trans\_c\_1690 AB236122|*Pisum sativum* coxVb mRNA for cytochrome c oxidase subunit Vb,  
complete cds, note: PscoxVb-1

CCATTTCCAAAAGCATAGAACTGCTGAAAGGGCGAGAGAGTGAAGAGCAAAGAGAGCCAAATTCGCCGTT  
CAAGAGGTGCGACCTGAGATCATAGCCGGAGTATTCACCGTTTTCAATCTACGATGTGGAGAAGATTGCTCTC  
TTCGTCGCTCAAATCCTTAAATCTCTCCCTCTTCATCGACGCCTGCATCCGCTCCGTTGGGATGCATTTCCCA  
AGCCGCTCGACTCGGTGCTGCTTCTCATCTTTCTCCTTCGACTGTCTCGCTTTTCGCTCGCCATTACGCCTCT  
GATTCTGCTGATACTGGTCTGAAGAAGAAGGTTGAGGATGTTATGCCAATCGCAACCGGACACGAGCGTGAA  
GAGCTTGAAGCTTCTTTGAGGGAAAAGACATACTTGACATAAATCATCCTGTTGGCCCTTTGGAACATAAGG  
AAGCACCTGCAGTTATCAAGTCATATTATGATGAAAGAATAGTTGGATGTCCTGGAGGTGAAGACGAGGATG  
AGCATGATGTTGTCTGGTTTCGGCTGAGGAAAGGAGTGCCACATGAGTGCCCTGTGTGCTCACAGTACTTTGT  
GTTGGAAGTTGTGGGACCTGGAGGCTCGCCTGATGGTTATGGAGATGATGATCACCATCATTGATTAACAGTC  
ATCCATCTCGAGAATAAACTTGGCTTTTAGACGAAGAAACAGATATCACAATTGGTGCTATTTAAAGCTGTGT  
TTTGTGTTGTTTCTACTGTTTCCTTGTGTTCTTTGTCAGTTCCTTCAGCAACAAAAGGAATTCTGAGTTTTTCGAA  
GTCAGTCGCGGACACTGGCAACTCATCTGCTAGAAGTACAATTTTTTTAGCTTTTCTTCTATGAATTTCCAAAT  
AATTGAAGACATCTCAATCTTTTCCAAACAACTCCTTGATCTTAGAAAATAATCTCATGAACCTGCGGAAAC  
AAATCGATTTTAGGAAGTTTGAATGGCTGTATGGAAGTGGCTTTAGATGCCAACTCATTGCCACTTTTATTAC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1691 XM\_002870064|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* DELTA-TIP2/TIP2\_2, mRNA

ATCCCTCAGCTCCGGCGAGAATCTTCTACCTTCTTCTCTATTTACTCAACTCTTTCCTTCTTCGGTTTTCCCTCA  
ACGAAAATGGTGAAGTTGGCTATAGGTTCCGCTGGCGATTCAATCAGTGCGGCTTCTCTTAAAGCCTATCTCTC  
TGAGTTCATCGCCACTCTCCTTTTCGTTTTCGCCGGTGTGGCTCCGCCATTGCCTACGGTAAATTGACATCCGA  
TGCAGCATTGGATCCACCCGGTTTGGTGGCAGTGGCGGTGGCTCATGCATTTGCATTGTCGTGGGTGTGTCG  
ATGGCGGCCAACATCTCCGGCGGCCACTTGAACCCAGCAGTGACCTTTGGGTTGGCCATCGGTGGCAACATCA  
CCATCTTGAATGGCTTGTCTATTGGATAGCCCAATTGCTTGGCTCCATTGTTGCTTGCTCCTCCTTCAATTTGT  
TACCAACGGCAAGAGCATTCCGACCCACGGCGTGGCAGCAGGACTTGGAGCAATTGAAGGAGTGGTCTTCGA  
GATAATAATCACCTTCGGTTTGGTCTACACGGTTTACGCCACCGCCGAGACCCCAAGAAGGGCTCTCTTGA  
ACCATTGCCCCAATCGCCATCGGCTTCATTGTGGGTGCCAACATTCTCGCTGCCGGGCCATTTAGCGGCGGCTC  
CATGAACCCGGCCCGTTCCTTCGGGCCAGCTGTTGTAAGTGGAGACTTCTCTCAGATTTGGATCTACTGGGTGCG  
GCCACTTATTGGCGGTGGCCTTGCTGGGCTTATCTATGGCGATGTGTTCAATTCCTTATGCCCTGTTCTG  
GCCCCGGTGATTATGCTTAAGATCTCAATTTTAAATTTCTTTGAATGTGCTTGTGTTTGTGTTGTTTCTTT  
TATTGGAAGAAAGAAATTGTAATTTTCTCCCTTTTATTTCAATGTTTGGCTTTGAGGTATTTTCTTTTGTCAAT  
GTACTTTTCTTTTAGGTTTGTGTTTATTGTGGATTAATAAAAAAGTGTAATTACCGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1692 NM\_001050103|*Oryza sativa* Japonica Group Os01g0614700 (Os01g0614700)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_1693 AF095454|Ricinus communis PII protein mRNA, partial cds

>trans\_c\_1694 AF311720|Solanum soganandinum line 1 photosystem II 22 kDa protein precursor (psbS) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

[illegible]

AGCTGTTTCGTCGGAAGATTGGCGCAGCTAGGGTTTTCGTTCTCGTTGATCGGAGAAATTATTACAGGAAAGG  
GAGCTTTGGCGCAATTGAACATCGAGACGGGAGTGCCGATCAATGAGATTGAGCCTCTGGTTTTGTTGAATGT  
TGTGTTCTTCTTCATTGCGGCGGTGAATCCTGGAACGGTAAATTCGTGACGGATGAAGAAGATGATGAATGA  
AGAGATGGATTGTGCTTTAATTTTCTCTGTACATGATGAACTTAGCAAGTCCTTATGTTCTTTCTCAGGGTTGT  
TGTGCTATTAGAACATTCTTATCCTCTGCTTGAGCACTCGAATCAACGAAATCGAAGTAACAACTTTGGGTAG  
TTAAAGTTTAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1695 XM\_002869052|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cyclase family protein, mRNA

AATCAACTTCCCCTTGCCGATCATGAATCTCCGCTCATCTTTTCTCCTCTTCTTTTGTTCAGGGTCTCCTCCT  
CCCGCCGCTTCTTCCACTTCAGCCTACCCTTCCGTTGTCGATACCGGACCAACTGATTGCTCACTTTCCGACGAC  
GGCCTCACTCCTATTGCGCCGGGAGGTGTACGATAATGGAAGAATCATCGACATCAGTCATCGGTTCACTACAG  
ATATGCCGGCTTGGAATCTGACCAAGGCCTTGCCAGTTCTCTGGCTTCTAAGAGCATGAAGAATGGCTC  
GCTTGCTAACAAATTCTGAAATGAAGCTCCGGCTCACACTGGTACCCACGTCGATGCACCTGGTCATGTTTTTG  
ATCACTACTTCGACGCTGGTTTCGATGTTGATACACTCGATCTGGAAGTTCTTAATGGTCCTGGACTGTTGGTG  
GACGTTCCAAGAGATAAGAACATTACTGCTGAGGTGATGAAGCTTTAAATATTCCCAAAGGAGTTCGTCGTG  
TACTCTTCAGAACATTAAATACAGACAGACGTCTCATGTGGAAAAAGGAGTTTGACACAAGTTATGTAGGATT  
TATGAAAGATGGGGCAAAATGGCTTGTAGAGAACTGATATCAAAGTGGAAATTGACTACTTATCAGTT  
GCTGCATTTCAAGATCTTATTCCATCTCATCTTGAATTTTTAAGAGGCAGGGAAACCATTCTCGTCGAAGGTTT  
AAAGCTTGATGGCGTCCAGCCGGGTTTATATTCAATCCATTGCTTACCTCTTAGGTTGCTTGGTGCCGAGGGGT  
CACCTATCAGATGCATTCTAATTAAGTAGTATAGGAATTCGGTGTTTATCTTTAGGAGTTATGTTAAAAA  
GAAAAAGTTTCTTACACTTGATAGAGTTTAGTTTCAAATACAGTAGAAATGTTTTCATCCTCAAATAATCAA  
GTTTAGATGTAAAGACTGCATGTTATATCTAATTGGTAGAGCTCAAGATGTTTTTATTCAAACCTGTTGGAAG  
ACATACAAAAATGATGCAACCATG

>trans\_c\_1696 DQ372898|Lycopersicon esculentum green ripe-like 1 mRNA, complete cds

TTTCCAATTCTCATTCTACAACATATTAATAAAATTTATCATATCAAATTAATAATTCTCGATTATTTCCGAATAA  
ATTGTACCCATCATGGCGGGATTCAATTCGCATCCATCAACGATCTTCTTCTCTTTTCTGAATCTGCCGCTTTC  
TTTCTTCCACTGCCATTACCGGTGAGACTACTTCTCTGAACCCTGCATCCATAATGATGAAGCAATTGCAGATT  
TGGTTGTTTTCTACTTTTCTTTAGCTGCGAGCAAATTCAGTTTATGCCAGTGTGTGGTTTGACAGCGTGATGCTT  
CTTTTCCATTTATTAACAAAGCTATATGGTACCTGGAAGATATTCTAAATGAAGGCGCAAGCAGTTTATGATG  
TCGAACTTATCAGTTCTACAGAGAGTATAAAACATGAATTTTGGCCTCTAGATCCAATCGACCCGGGTCAAGC  
AAAGTTTCCATGCTGTTTGGTTGGACACCTCTTCTGTTGTCTTGGTTGGCACCTTTCATTGGTCATGTTGG  
GATTTGTAGGGAGGATGGAGTCACTTTAGATTTGCGAGGATCAAATTTGTGAATGTTAATGATTTTGCATTTG  
GTTCTGTTGCAAGATACCATCAACTCGACCGAGAAAAATGTTGCTTCCCAACGTGCTTAGCTGCACATAAATGT  
AAGCAGGGCTACCAGCATTACAGTATGGAAGTCCATTACTTGGGACGATGGCCTACAATCAAGTATACGGT  
ATTTTGAGCATAAAATCGTACAACCTTTTTACGTGCAACTGCCATTCTTTATTGCCAATTGTCTGAACCGTCTTT  
GCTATGATGGATCGATGAGTTGGAACATGATAAATGTAGCAGCTCTAATTCTGTTCAAGGGGCATTGGGTAG  
ATGCAATGTCAATTGTAAGATCATTTCTTCCCTTTGTAGTGGTGGTCTGCCTGGGCATTGCCATGGTTGGATGG  
CCGTTCTTGATTGGGTCTGTGTCGCTTTCGCTCCTTTTTGTTGGGTGGTTGTTCTGGGTACTTATTGTATAAAAG  
CTGCTGGAAATGTAGAT

>trans\_c\_1697 AY108854|Zea mays PCO078397 mRNA sequence

AAGTTCACGTGGAGCCGCCATCACCCCTTCGCCTTCTTCGCGGCTCCGGTAAGATTGCTATTGAATTTGAAT  
CTCCAAAAAATAACCGAGACCGACCAAGTTCGGGTGGCCGGTTCAAAGCACTGAAAACCGGTGTACTTGG

TTCGGCCACCGACTTCGTTCAAACCGGACCCTGCGCAAGGCGATCGTGACGCAAAATGGCGGGAAAAATTGG  
CGCCATTCTCGACAATGGAGCATTTCTTTCTCGCCTTCCGAGATATAAACCCCATTTATCTTCTCCAATTCTAAA  
TCCAAGTGCATCAATTTCAAGTTCAATTCCTATTTCTCTCAAACCTAAAGATGGCGCAGAACGGCACTTCAGA  
AGTTCAGGAATCGTTGCGGTGCGCCAAGGTGCAGAAGCTTACTCACGACAATGGCGAATCTGAAAATGTTAG  
CAAGTCATCGATGCTTCTCAGAGTGAAAAAGCTGTCTGAGAAAGCCGTGTTGCCATCGCGAGCCTCCGCTCTC  
TCCGCTGGTTACGACCTTTCAAGTGCAGTAGAGACGAAGGTCCCTGCTCGAGGGAAAGTTCTGGTTCCAAGTG  
ACTTGAGCATTGCGATTCCGGAAGGAACCTTACGCTCGGATCGCGCCGCGCTCTGGTTTGGCTTTGAAGCATGC  
GATCGATGTTGGTGTCTGGTGTATTGATGCTGATTACAGAGGCCCTGTGGGAGTGATACTGTTCAATCACTCC  
GATGTGGACTTTGAGGTGAAAGCGGGCGACAGGATTGCTCAGATGATTCTTGAGAAAATTGTGACGCCGGAG  
GTGATGGAGGTGAGGATTTGGATTCCACTCTCAGAGGTGAAGGTGGCTTTGGCTCCACAGGTGTTTGAGAA  
ATCTCCACCTTAGAAATGGCAGATTTTCAGTCTTTTTTCCATTTTGTATCTCAAAGCTATATCAAACCTTTTGT  
TGAACATATATATGATTGTCAGGAAAAAGAACTTTGTTTTGTAGCCATTTCTATCAATGAATGGTCAAGTTTCC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1698 BT029378|Arabidopsis thaliana At2g22370 mRNA, complete cds

AAGTGAAGGCAGTGGAAGTGGATATACAGCTCGGAATTTGAAGCTTTGGAATTTGCCATGATTTCAAAGTG  
AAGCAAATCCAAGTGGCCGAGCTTAGACTTCAATGGAGTGTGTGGTTCAGGGCATAATTGAGACCCAGCAC  
GTTGAAGCCCTTGAGATTCTTCTCAAGGTATTTGCGGCGTTCCTAGAGAAAGATTGAGGCTCCATGAAATAT  
GCCTAAAAAGTGGACCTAGCCTAGGTGCTGTAGCATCTGAGGTTGCGATCTTATGCGACCTTGAGCAGGCTGA  
ACCGACATGGACGGTTAAACATATTGGAGGGGCAATTAGAGGTGCAGGTGCTGAACAACCTCTCTGTTCTGGT  
TAGGACAATGGTAGAAAGCAAAGTTAGCAAGAATGTGCTTCGTCTATTCTATGCACTTGGCTATAAGTTAGAT  
CATGAGCTGCTGAGAGTTGGTTTTGCCTTCCGCTTCTATCGGGGTGCCACATAACAGTGACAGTTTCATCAGT  
TAATAAGATGTTAAAGCTACATTCAACTGATGAGGCTGTACCTGTAACACCTGGTATACAGCTGGTCTGAAGTG  
ACAGCCCCAGCAACTTCTGATAACTATTCTGAAGTAGCCGGTGCAGTGTGACTTTCTGTGAATATCTTGCACC  
GCTGCTGCATTTGTCGAAACCAGGAATATCCACAGGTGTTGTTCTACTGCTGCGGCCGCGGCAGCCTCGCTT  
CTATCTGATGGTGCCGGAACAACAATGTAGATGGTTCGTTACAATGCTTGAAGGTTATTGAGTTGGTATGGAT  
ATGGTGGCAGTAAGTTCTTCTAAAGTTTAGGAGTTAACCAAACTTAATCTAGAAACGATTTTCTGTAGTTCCC  
ATTGAGTTTAAAGTAGCTAGGCTGTAGCATATCTCTTTGATATCTTCAAGGAATGAAGCTTATATTTATGTAAA  
TATCCTTCAACTACCAGATCTACTCCACCTGTTTCTGAAATCTTTTATCTAAATCATTGAAGAATTATATCCGCAA  
ATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1699 NM\_102679|Arabidopsis thaliana COR414-TM1 (COR414-TM1) mRNA, complete cds

GGTTGTACGGGTGACAGTTTGGTTGTTGAATCAAAAAGTAGAGAATCAAGATCACTGATTCAATTTCAATTTCCA  
AATCCGAGAGAAGATAAAGGCCGAATCAAGCGAAGGAGGAAGAGGGGAAATGGTTTGTGTATCTCTATCTTC  
TGCTGTTTCACTTACCCTCCTTCTTTCTACAAATCCAAAAGTCTCCGTTCTCTCTCCCTAAGATCTTCACCGCC  
GAATGCGAAGCTCTCGTTAAATTCTGCCGCTAAACAGAGTTCGATTTGTTACAATCCGCTCAGGTTTGTGTGCG  
GTAGCGAGGGGATTGCGACGGCGGGGATTAACAAGAAGAAGAATCGTGGTTTAAAGTGTGCTTGTACGCTA  
TGCTGTTAACACTCGCACTCTTCAAGTGGGTCTCAACCATATCTTCTGTGGTTTTAATGCTCGCAAAGGGAACT  
GGGATTCAGAAATCAATTTATCGTTCCGCTATTTGCACTTCAGGCGCCTGCAAGTGTATCTCTGGATTAAAGG  
AGAGTACGGGATTTGGAGCGCTTTTCTGGCACTTCTTGTTCGACTGTTCTTCTCATCCCTGGTGAATTGGAGA  
TACCATTATATCACTACTTTTGGTGATTGTGGCCCCATATCAAGTCCAAAAGTAAAGAGGAAGTCAAGAAGGG  
TGCATTATCTCCCTACTGATTGCAGCATATTTGGCCTTCCAGCATTTCTCTCGAGCAGGCAGCTTTCAGAGAGC  
TTTTGATCAGAATTCATTTGTTGCAACAGTAGCAGTCATTTGTATTACTGCTGTTTCATTCTGTTTGTGATCTG  
AGTTCCTTAGTCACTCCCAAGTAAACCTTACGGGTAAATCTTCAATAAACACTATTGGTTGTCCTGTAATAGTT



>trans\_c\_1700 NM\_001054922|Oryza sativa Japonica Group Os02g0796300 (Os02g0796300)  
mRNA, complete cds

>trans c 1701 AY297039|Hevea brasiliensis latex cyanogenic beta glucosidase mRNA, complete cds

>trans\_c\_1702 FJ984563|Tropaeolum majus lysophosphatidic acid acyltransferase 2 (LPAT2) mRNA, complete cds

AATCAAATCATCGTTTCCATCTCATTATCTTCAAAGTCCTCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCCTCTCATTTCTCC  
AACTCTCTCCATCTGGTCGTGGAGCTTGGTCATGGCGATTCCC GCGGCCCTGGTGATCTGCCATTGGGCGTTC  
TCTTCTTCTTCTCTGGCCTCGTCGTTAATCTCATT CAGGCAATATGTTATGCTTTATAAGGCCGATAACAAAGA

ATGGTTACAGAAGGATTAATAGATTTGTGGCCGAACCTTTATGGTTGGAGCTTGTTTGGCTAATTGATTGGTG  
GGCAGGTGTTTACAGATTAAGTGTTTACAGATCGTGAAACCTTAAATTAATGGGTAAAGAGCATGCACTTGTT  
GTCTCTAATCACAGAAGTGATATTGATTGGCTTGTTGGATGGATTCTAGCTCAGAGATCCGGATGTCTTGGCA  
GCACGCTAGCTGTAATGAAGAAGTCATCAAAGTTTTTCCAGTTTTAGGTTGGTCAATGTGGTTCTCGGAGTA  
CCTTTTTCTTGAAAGAAGCTGGGCCAAGGATGAAATTACTTTAAAGTCAGGCTTTTTACGGTTGAAGGACTACC  
CTTTACCTTTTTGGTTGGCACTTTTTGTGGAAGGGACTCGATTTACTGAGGCCAAACTTTTTGGCAGCTAAAGAG  
TATGCAATTGCCAACGGATTACCTGTTCCAGAAATGTTTTGATTCCACGCACAAAGGGTTTTGTGTCAGCTGT  
AGGTCATATGCGCTCGTTTGTCCAGCAATTTATGATGTTACAGTAGCTATTCCCAAACCTCACCTCCACCTAC  
AATGCTGAGACTCTTCAAGGGCAGCCTTCTGTGGTACACGTGCACCTTAAGCGACATTCAATGAAAGAACTGC  
CTCAGTCAGAAGATGCCATTGCTCAATGGTGTAGAGATATGTTTGTGGCAAAGGATGCACTGTTGGATAAGCA  
TGTAGCAGAAGACACCTTTAGTGATGCAGAGTTACAAGAACTTGGTCGGCCAATCAAGTCCCTCTTGGTAGNC  
ATTCATGGGCATGTCTGCTCATC

>trans\_c\_1703 NM\_127130|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein  
(AT2G15690) mRNA, complete cds

CATTCGGCCGGGGGTGATAATTGGCATAGGAAGAGATGACAAGCTTATTGAAGTTATTCAGAAGCTGTTCTG  
GAAAGCGACCATCCAAAAACACTTCCTTTCCATACAAATCAAAGAAAGGTCCAATTCTTCTCAACCTCTTCAA  
AGCACTTCCGCCCAAACCTTGGAGGAGATCAAATGGGCGTTTGAGAAGTTTGACTCGAACAAGGATGGAAAGA  
TCTCATTGAGGAGTACAAGGAAGCTACCGAGGCTTGGCTGGAAGCAAAGAAATCACAGACGCAGAGGCCA  
GAGAAGTCATTCAAGCTTGTGGATGCAGATGGCGATGGATTCTGTTGATTGAAGGAGTTCGTGGAGCTGTAC  
ACGATGAGCAGCGGGGAAGTGAAGGTGGGTGACATCGAAAGTGCCTTCAAAGTGTACGATTCCAATGGAGA  
TGGGAAGATAAGCGCAGAGGAGGTGATGGGAATCATGAAGATATTGGGAGAGAACCACCTTAAATGCTT  
GCAAGCAAATGGTGAAGGGTGTGGACATGGATGGGGATGGCTTCATTGATATTCAAGAGTTTTCTAAGCTCA  
TGGATACGTACTCGAGTAAGTTTTCAAAGTAAAGAAGCTAAACTATAGTGTTCGTTTGGTAACCATTTTCATT  
TATTGTTTTAGAAGGATCATTTACATTTTTCTCAAAGTGCTATAGTTAATTTCTTACTTAATTTTTCAAAAAAAAAA  
AAAAAATAATAAAATGGTTAACAAACGAGACCTACACGTACCTCTAATTACATGAATTTACATGAATGGAGG  
TGGAAAACAAAAATTCTAAGCTATGTTGAAGTTTGTATCCAATAATTAGGAGGATGGTTATATTATATTGTGG  
CAATGTTGTTGATTAATGTGCCACTACTAGTCATTATGCAAAGTGTAGATTTGTGATGTAATTTTTGTTAAGTTG  
TCAACATCTTCAAACGGTGAAGGGTTCGATGTTGATAGTGTGAATTGAAAATTTCTATTATGTAAGAAAATTG  
ATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1704 NM\_001050565|Oryza sativa Japonica Group Os01g0708900 (Os01g0708900)  
mRNA, complete cds

TGCTGAAGCATGAGGGTGTTCTGTTGATTCTATAAGGGAAATGGAGCTAGCGTTGTTCCGATTATTCCTTATGC  
AGCTCTTCATTTTATGACGTATGAGCAGTACAGATGTTGGATCTTGGATAACTATCCAGGCTTAGGTGTTGGG  
CCTCATATTGATCTTTAGCTGGTTTCACTAGCTGGAGGAACAGCTGTTTTATGCACATATCCCTTGGACCTGGC  
ACGAACAAAACCTGGCTTACCAGACTACTGATACAAGAACGAGGAACCTCTGGTTTAAGAAGTTATCACACTCAA  
CCCGCATACAATGGCATCAAGGACGTTCTAGTGCGTGTTTATAGAGCTGGTGGAGCACGTGGCCTCTATCGTG  
GTGTTGGTCCAACATTAACCTGGAATCCTTCCTTATGCTGGCTTGAAGTTTACGTTTATGAAAACTGAAAAGT  
CACGTTCTGAGGAGCATCAGAGTTCATTGTGATGCGACTATCTTGTGGAGCTCTGGCTGGATTATTGGGGC  
AAACGTTACGTATCCCTTGGACGTCGTTAGAAGACAGATGCAGGTTGGAGATATGCCATCTTACTAAATGG  
TCAAGTCAGATTTAGGAATTCAATAGAAGGTCTTACGATGATCGTCCGTAACCAAGGATGCAGACAATTGTTC  
GCTGGATTGAGCATTAACTATATTAAGATTGTTCTTCTGTGGCCATTGGGTTTGCAGCATATGATAGCATGAA  
GATATGGCTCCGAATCCACCTCGGCAGAAGACACAGTCGATTTCTTCTGCTTCATAAAACAAGCTCTCTCATG

TTGACGCCCTCTATAGATTGCCCTTGTAATTGGTCTACTGTTACATACGGTTGTGACTTCCACATGTGCTTGAAT  
CTATAACGGGTTTTGGTTTGATTCTGTGTGTTTGGTATTGTTCTACTTGTGGGGGAGTAATCTTTCTGTGCTTAG  
ATTATGTTTTCTCTTGAATTGCGAAGCTCTGAATTTTGAATATTCATTTTTAAAATTTTTGCTTCGGAATTTCCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1705 AY052713|Arabidopsis thaliana AT3g04350/T6K12\_3 mRNA, complete cds

TGGGAACACTTCACGCTTCGAATCTGCAACTTTTCTGGGGAGCTATGGCAAGTGACTTCTCAGAGCATAGCG  
GTGGGAAATGGGTGGATGCCTCTGACTTGGAATTCATTCAAGGCAATAAGCCAATCGTGTATTCGTCGAAACA  
TGGTCATGCTAGCTACCCGCATCTGGGAGTTATCTTCAGGGTTCAGTAGCTGGAATTGGAGTGAGGAATGAT  
GCAGCTCGGAGCAAGTTTTTTCATTGATTGAGTTCTAAATATGAAATCATTGCTGCTGAATATCTTGGCGATGG  
CTACATTGCTGAACCAGATTGGTTACAGTACATGAGAGAGTGGGGTCCAACCGTTATGTATAATTCGAGATCA  
GAGATTGAAAGACTAATCGATCTCCTTCCTCCATTTGTCCAATTTTCTTGGGAAGATCTACTTGCTCTATTCCCG  
ACCGAGCTCTACGGTGAAGAAGGACCAACTGGACCAAGGAAAAAACAACACTGGTTCGGAGATGAAAGGTG  
CTAGAGATATACATACAGATTCATCAATTAACAACACCACAACATGAATAGCTATCAGTTAACTTTCTAAAGTG  
GCCGTTTCTTCATCGAAACACGGTGAAAGTGAGTAGATAGGTCAAAACATTTAGCTCCATTATTCTGTTACAGT  
TACTTGCTGATCTCGCTGCAGATACAACTCTTGAATTCGGATTTGAGGGGATTGCGTCATTGAGATCAATTGTA  
GTTTCGCCTCGGCTTGAGAAAGGGAGTGTTGTATATTTTATTGTAAGGATTTTAAGTTTATAGTTCATGG  
AATGAAACGTTTAGAAGTTCAAAGAAAAGAAGATTGTGAAAGAATGAATAAAAGAAATTAGGCTTTCTTATG  
GATACACGATATAATTGTGTTGATATATAGTTACTATTTGATTGAAATTCAGCAAATTTCAATTGTCATAATTTA  
ACATTCTATTGGAATGAAGTTAGGTATGTTTACCATCTCGCAATTATAATGAATGTGACCTGGGAAACACATTT  
GATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1706 XM\_002318584|Populus trichocarpa 5-formyltetrahydrofolate cyclo-ligase (5FCL),  
mRNA

ACCGGTAAATGGATTTCAAATTCGACCATTGGTTCTAGGTTGACGAACCAGCTAAGTCCAGCCGGAGTACAC  
TTGGGTCGGAGCCCAAAACACAGAAAGTGGGCAATTTCCGAAGCCCCAATGCTCCGAAACTATAAACCATTGT  
TGCCCATTCAGCAAATTCAGTGTCAATCACATCCAATCTTCAGCTTTTCAACAATCCCTTCCGCCATTATCGC  
GTTTCTCATCTGGGTGTCCAAAGATGGCGACAAACGAGAGTATCAAGCCAGAAAATGAAGACCAATTGAAAC  
ACATATTTGATCAGAAACGGGTTCTTCGATCCAGCGTTGAAAGGCCCTCAAAGCCATGGACCCCTCTCTCCGA  
TCCCAGGAAGACAATGTAATTCAGAGTATTGTCTTGGAAGCTCCGTGGTTTAAATCTACTCAGAGATTATGTGC  
TTATGAGAGTTGCAGTGCCTTAAGGGAAGTTGATACATCGAGACTATTATCAGAGATTCTTCAACACCCTCTA  
AAGATGGTTATTGCAAGAAGATTTATGTCCCGCGTGTGGAGGACAAGAATAGTCACATGCGGATGTTCAATAT  
TTCACGTATGGATGATCTTATTGCAAATTCAATGAACATCCTAGAACCAGCTCCAGTGGATAGTGATGGAAAT  
GAACGTGAAGATGTTATGCAGACAAAAGACCCCATTTGATTTATTTCTTACCAGGACTAGCATTTGACAAATC  
AGGAAGACGCCTTGGCCGAGGGGGAGGTTATTATGATACCTTCCTAAAGAACTACCAAGAAGTTGCAAAGGC  
ACAGAATTGGAAGCAGCCCCCTCTTGTGCACTGTCCTACTCAGTGCAGATAATGGATGAAGGAATTATACCA  
CTCACTCAAAGGATGTTTTAGTCGATGCTCTTGATCACCGTCTGGTGTGATTCCCCATCACTCAGCTGCATTG  
GACATAATGAAAGTATGACACTGGACACAGATCAGAATTATGACACTGGACACAGATCAATCTCTTAAACAAA  
ACTTCTTTGATGAAATCCTTGAAAATCTGG

>trans\_c\_1707 NM\_116898|Arabidopsis thaliana nodulin MtN21 family protein (AT4G08290)  
mRNA, complete cds

CATTACATCGGCCATCATGAACGCTGTGCCCTCCGTTACCTTTATCATCGCGGTCCTTTTTCGAGTGGAACGTT  
TAAATATAAAACAAGTACGAGGGGTAGCCAAGGTAATTGGCACCTTGGTTACCTTCGCCGGAGCTTTGATTAT

GACACTTTACAAAGGCCCAATTCTCGATTTCTTTGGACTCAAAAAACCAACCACCACGTTAACAGCGGCGCCG  
CCGCCACCAATCAACATTGGGTGGCCGGAACGTTGTTTCATCCTTCTGGGCTGCGTGGCTTGGTCCTGTTTCTAC  
ATATTACAATCTGTAACAGTAAAGAAATATCCGGCGGAGTTGTCTCTCTCAGCACTGATATGCTTGGCTGGTGC  
ACTTCAGAGCACAGTGATAGCAGTAGCTATTGAGCGTCATGCTAGCGCATGGGCTGTGGGCTGGGACTCGAG  
GCTTCTTGCTCTCTCTATACGGGAATAGTTGGGTGAGGCATTGCTTATTACTTCCAAGCTCTTGTTATGAAGAC  
TAGAGGTCCTGTCTTTGTGACGGCTTCAACCCTTATGTATGATTGTTGTCACCGTTATCTCTCCATTGTTCTT  
GCAGAGAAGATTACCTCGGAAGTGTGATTGGAGGCCTTATCATCGCAATTGGGCTTTATGCAGTCGTTTGGG  
GTAAAAGTAAGGATTATTCCACCGCCGACCACCTCCAAAAGCCAAACGCCGCCGCGTACCAGACCTTCCAAT  
CGTTGCCTCTCAACTCCCTGCCGAACAAGAAGCTTATCTCAACCTTCCAAATGAATTTAATACAAATTGCTGCC  
CACAAAATCCATTCACTTGATAGACCTCTTGCCTTATTTACTTATGTCATAAAGTATCATAGTTTTTCTTTTAA  
TTGAGTTTACAGACACGATCTCATCGTTGACGAGATTATATGTTTGAATCAATTGAGTTATGCTTAAATACATTT  
TACTTTCCAACCTAAAAGATGGTGTATATGTATAGACCTAGTTATTATAATAATGTCTTTCCAACCTGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1708 BT024622|Arabidopsis thaliana At2g42670 mRNA, complete cds

AGCTTGCGTGCGATCCCTCCGCTTCGCTGCAGCTCCCTCAGGGGCTGATAAGTTATGTTAAAAGAGAGGATCC  
ACTGCCATGCAGATCTCTTGCTGTTGGCTACATATGCAGAATAAGTTTGAGTTACCATCCTGTTATAATTTTTAT  
CATCATTACAGTTCATAAACTTATTGTAAAGACGTTATCAGCTTACTGGCTTCGGGCTTCAGTCCTTTCAGTTAA  
GTTGGTACCGTCTTTCGTCATGCCATATTACATACAGAGACTTTATAATACTTGCAAAGCTGCATTGTCTCCTA  
ATGGACCTGTGTCAGAAGAAGCCCTTGAGAAAGTTCGTGCCATGTTAGAAAAAATCAAGCCCTCTGATGTAG  
GCCTTGAACAGGAGGCACAAGTAGTTCGTAATTGGTCGGGACCTGTGCAGGAACGTAATGGGAGACGACAA  
TCATTCCCACCAATTAATACTTGCAATTTGCACGAGTGTGATAGCTTCTCTATAGGTATTTTCTGTATGCCTCCA  
ACTTCTATCATACCTTTTCATAATCATCCTGGCATGACCGTGTGAGCAAACTAATTTATGGTTCCTTACATGTC  
AAGTCGTATGACTGGGTTGATCTTCCAGGACTTGATGATATTTGGAAGCTCGACCCGAGTGCTTGTCAAAG  
ATACAGAGATGACGGCACCTACTCCAACGACTGTCCTATATCCCACAAGTGGAGGCAATATCCATAGCTTCAG  
AGCCATCACACCCTGTGCTATTTTTGACATCCTTCTCCCCCTTATTCATCAGAACATGGACGCCACTGTACTTAT  
TTCCGAAAATCTCCAAGAAAGGATCTTCTGGTGATTTTCAATCGGATGGAGATGGAGATTAGTTTCTGAAG  
TGACTTGGTTAGAGGAATATCAACCTCCCGACAACCTCGTGATCCGGAGAGGGCAGTACAAGGGACCTGTGA  
TTAGAACTTGATCGATATTCTGTTTTAGTTGTACCATAACAATTTGGAAAACGTCATCTTCTAACTATGAAATAT  
TGAAGCGAAATTCTGGGTATTGGG

>trans\_c\_1709 NM\_100310|Arabidopsis thaliana thioesterase family protein (AT1G04290) mRNA, complete cds

ACCCATTGAGATATGGGAAAGACAAAAGGAATCGTAGATAATGATCCCAAGTTGGTTCCCCCATGGATGAC  
CTTCCTTCAAATTTTTCCAGTTCTTTGTGATGACTGCTCTTCGATTGATCTCCTCCAACCTGGTCGCGTCCTTT  
GCTCTCTCAAAGTCCCTGCTCGTTTGCTTAACGATAATAATTCCATGCGCCAAGGAGCCTCCGCGTTACTTGTC  
GATTGTTTGGGTCACGCAGCGGTGAAGACTTAACCCCTTCTCCACCGGAGTTTCCCTCGAAGTCAACGTCTC  
CTTCTTCGATGCTGCTTATCTCGACGAGGAGATTGAGATTGACAGCAACGTTTTGCGTATGGGAAAGACCATT  
GCAGTAGTTAATGTTGAATTTAGGAAGAAAAGCAATGGTAAAATTATTGCTCAGGGTGGGCTCACCACCTACG  
TCCCTGTCTCAAGCAAGTTGTAGTCATGAACCTTCAATATTGGACGTCGTGTTGCCAACCATTTTCTCTGCCAG  
ATTACATTTTCTAGCTTCAATTGAAAGAAATGTACTAATAATGATAACATGTTGCAAGAAATGTAATGGTGAAA  
ATATCACATTGTCGTAAGAAATGTAATGGGATGTTACATTTTGTGCATTTTCCAAATGGTAGTGTAGCTAAGTA  
TAAGGCTGGCTTGGTAGCAAAGGGATATCATCAAGAGGAGATTGATTAGGGGAAAGCCTTCAGTGATGTGGT  
TGTGAAGAAATCTATAAACTTATCATTCTATCTTGTACTCAATTTGGGAGGAATTTGCAACATGACACTA

GGGATGCATTTCTTCCCGGGGATGTTTCATGAAGGGGTTTATATGTGGAACTTCAAGAATTTGTTCAACAATT  
CTCGCCCAATCTAGTTTGTAAGCTTCTTAAATCTCTCTATAGATTGAAGCAATTGCCTAGTTAGTTTGTAAGCTT  
CTTAATCTCTACGTGGGTTGAAGTAAGCATTCTGCGCTTGGCTTGCATGTTTTACATCCCCNAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1710 NM\_180844|Arabidopsis thaliana ATGB1 (ARABIDOPSIS THALIANA GTP-BINDING  
PROTEIN 1); GTP binding (ATGB1) mRNA, complete cds

GTAATTTGGTAGGGGTGGGGTAATACCGGTATTCATAGAAGAAAAGAACATTGTGTTGCAATTGCGGCAAT  
CGGGAGAAATTGAAACAGAAGAAGCTTGATTGGTTCTATAATTATTGACGAAAAGACAGAATTCGGTTAC  
TTTCAGACGGTGGGAGCTCGTATTTGCTGCACTGGAAGCCAAAGCCCTACACTTGCAGCAGTTCTTTCTGTAAT  
CCCTTCTTTCCAAGATTGCAGAATAAATAGGCCAGAGGAGGGTTTGAAGTTATGACGTTTGACCCCAAGGGTT  
AAGAGAACTAATACCCGAGTAACTCAAAAGACACAATGTTTTCTTTATTTTATGGCCTCTGGAAGTACCTAT  
TTAGTAAGACAGAGTTTCATGTTCTCATACTAGGAATTGACAAGGCGGGGAAAACAACCTTTGCTTGAGAAGTT  
GAAGTCCTTATACTCAAACCTTGAAGGGCTCTCCCCTGATCGGATTGTTCCAACCTGTTGGACTCAATATTGGGC  
GTCTCGAGGTGTTGAATGCAAAGCTTGTCTTCTGGGATCTGGGAGGTCAGCCTGGCCTTCGGTCTATTTGGGA  
AAAATATTATGAAGAGGCACATGCTGTGATCTATGTGATTGATGCTGCTTGCCTTCAAAATTTGAAGATTCCA  
AATCTGCACTGGAGAAAGTTCTTCGACACGAGGATTGCAAGGAGCTCCACTTTTGGTTCTAGCAAACAAGCA  
GGATCTTCCGGAAGCAGTATCAGCAGAAGAACTTTCTCGTTATCTCGATCTTAAAAAGTTGGACGAAAGAGTC  
TACATGTTTGAAGCTGTTTCTGGTTATGATGGGATGGGGATAAAGAATAGTGTCAATGGTTGGTGGATATA  
ATGGAAAGAAGTAAAAGAACCAGAAATATTGAGAGCTCGAGCAGGTGTTAGAAGCCCTAATTCGAATTACAT  
CTTTCTGTCCAGAGCATCCACTCGATCTGGCTTCTGTTATCTAGCTTTACTACATCTAGCTTTACTACAAAATGT  
AAAGATAATATTGATTCAAAGGCTAATTGGT

>trans\_c\_1711 NM\_122168|Arabidopsis thaliana phosphoglycerate/bisphosphoglycerate mutase  
family protein (AT5G22620) mRNA, complete cds

ACCCCAAACCTCACCTGTTGCTTCTGGTAGTTCTGGAGGCAGGAAAGCAACAAAAAGGATCATACTTGTGTTGCC  
ATGGAGTTTCCGAGGATAATAAGGCGAGTTCTTCTTCTGGAGGACAAGCCAATGAACATTCTTGGGGTTAT  
ACAGCCGCAGAAAGTTGCAGAGCTCCTTCTTGATTTAAAAGTGACCGCTGTAATAAGCAGTCCCAAGAAAGCT  
TGTGTAGAGACGGCTGTAGCAATTTCCAGGGTACAAGAAGCTGCAGATTGCTTGGGTGCTGATTGTGTGCCTC  
GCTATGTGGAGATGAAGCAGACGAATAAACTTGATGTAGAGAATATCCCGATCATTTAAGCAGGATGTAG  
GTGACATTAATGTCTTTGAACCTGGTTGGTTAAACAAATTGAACGATGGGGTGATTACAGAAGTGTGGAATCA  
GAGTGACGAAGCCTGGAAGTCTCTATTGAATGAGATGGCTGATGAAAAGGAGCCGGAAAAGATTGTTGTTGT  
GGTGGGTGCTCCTGCCATTCTTTAGGATTGCTGGGGCAGTGCCTGAATCTCACAAAAGACTGGATTGGATCA  
TTTACCTGGATGCTGGAAGTATCAGTGTGCTCGACTTCCCTGATGGACCTAGTCGCAGAGGTGTGGTTTCGAT  
GCATAAATTACACTGCTCATATGGGAAGATGGTCAATTCCTATTACTAGACCTACCGTGGATGATGAAGAGTT  
TTAACGGTGATGGACAGAAAACTAAAGGAAGTCAAGACTTCTATAGAATTCGCCGGAACAGCATGTCTGA  
AGCCTCAAGTTGCCACATGCAAGAAAACCTAGGGTTTGTGTTGAGAGAGAATCTCGAGGCTACAGCAAAGAGG  
GGATGAAGAAAAAGAGTGTGAGCAGTGAATTATGTTAGTTGTTTTGAAGTTTGTGAGTTAAATAGTATATT  
CTGATACTTTTNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1712 NM\_001069208|Oryza sativa Japonica Group Os09g0249600 (Os09g0249600)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_1713 NM\_001084944|Arabidopsis thaliana zinc finger protein (LSD1) (AT4G20380) mRNA,  
complete cds

>trans\_c\_1714 AF009003|Pelargonium x hortorum glycine-rich RNA binding protein 1 (GRP1)  
mRNA, complete cds

GCGACCCAGGTCAGGCGGGACTATACTCTTCTTCTAGGGTTCCTCTTTCTTCTCATTTCATGGCTTCCTC  
CTCTGTTGAGTACCGTTGCTTTGTGGGTGGCCTTGCTTGGGCCACTGATAGTAATGCCTTAGAGAAGGCTTTCT  
CTCCATTTGGTGATATCGTTGAAGCCAAGATCGTTAGCGATCGTGAAACCGGAAGGTCGAGAGGATTTGGATT  
CGTGACGTTTTCCGAGGAGGATGCCATGAGAAGTGCTATTGAAGCAATGAATGGTCATATTCTTGACGGACGT  
AATATTACCGTTAACGAGGCGCAGCAAAGAGGTGGAGGAGGTGGTGGTGGTGGTGGTTACCGTGGCGGAG  
GCGGAGGTGGATACGGTGGACGTCGTGACGGAGGAGGAGGTGGAGGATTTAGCCGTGGTGGTGGTGGTTA  
CGGAGGAGGTGGTGGTGGATACGGAGGAGGTGGTGGATACGGTGGTGGACGTGACCGTGGTTACGGAGGT  
GGTGGTGGTTATGGCGGTGGACGTGACAACAGGGGAGGTGGTGGCGGTGGATCTGAAGGTGGATGGAGAA

ATTAGACGGGGGATTATGATTTTTTTTTAGCTTTTGGCTTCGAAATATTAGTGTGATGATGATAAGAAAAATC  
TTAGCAGGATCTTTCTTTCTTTTCATTTTGTGGCTTTGTTCTGTTCCGTTTGGGTGCTCTCTTTTTTGACCGA  
TTACCGATGGGTTTCGTGTTCCGATCAATGTTACCGATGATGAAAAAAATTACATAAGAAAATGAAGTACAGA  
TCTTCGTTCTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCC  
CCCCAAAATTTTTCAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCTAAAGGGGTCAAAT  
TACCCCCCCCCCTGGCCCCCTTTTTAAAAACCCCGGGGGGGA

>trans\_c\_1715 AY104165|Zea mays PCO134015 mRNA sequence

GGATATGTTGAAGAACTTATGATTGGATAAATTTCTACTTCAACAACCTCCAATAAAAATTATTGTCTACAAATA  
TTGAAATTAACCTTTACAATTTTTGGTTTTAGAAAAATATTCGGAAGTAAAGCAAAGCCTTATTGTCGTTGTCGG  
CAATTACTTCGGAGCCACCACGGAGAGAATTTGGTGTTGTAAGTCCACCAACGGATTTCTCATCCCCTTTTCC  
TTTCTTTTCTCTACCATTTCCGATCTGCCTATTTTTTAGCGGAGGAGTCGCTGGAAAGTTTCATCAAATTCAGT  
CAAATATGAGTGAGGTTTTCGAGGGTTACGAGCGCAATATTGTGAAGTCTCCGCCAATGTTTCTCGGAAATC  
CAACTCTTTCGCCGCTCCGATTCAGAGCAGAAACAGCAGTGGCTTTCGGAAATCAAAGTTAGTTTGGATGAG  
GCTGAAGTTTTGATCCGAAAATGGATCTTGAGGCTAGAAGTTTGCAGCCAGGGGTAAAAGCTATGCTACTT  
GCTAAGTTAAGGGAGTACAAAACCTGATCTTGGTAACTGAAAAAGGAATTTAAGAGATTGACATCACCTAATG  
CTGATCAGGCTGCTCGTGAAGAATTGCTGGAGTCTGGAATGGCAGATGCTCATTTGGCTTCAGCTGATCAAAG  
AGAGAGGATGACAATGTCCATAGAGAGAATAAATCAGTCAGGTGAAAGAATCACAGAGAGTAGAAGAACCA  
TGCTGGAGACCGAGGAGCTCGGTGTCTCAATCTCCAGGACTTGCATCAACAGCGGGAAACTCTCCTCCAGTC  
TCATAAGAGACTTCATGGGGTAGATGATGCCATTGATAAGAGTAAAAAAGTTTTGACCACAATGTCTCGAAG  
AATCAGTCGAAATAAATGGATCGTCGGGTCAAGTAATTTGGAGTTCTGGTACTTGTAATTATCCTTATACTGTAT  
TTTAAGCTCTAATATCATCATCGAGATGTTTCTTTGATACAAAATGAATTCTACTCTGATCATTTTAGTTTCCAA  
TCTACACTTGTTGTCGATCATATATT

>trans\_c\_1716 BT025169|Arabidopsis thaliana At3g50850 mRNA, complete cds

AAGGAGAGAGGCGCAAACAAAACCTTCAGTATCAAGTCTTCTGATCTCGACGGCGGCGACGATGACATTAGC  
CCCATCTCTCTGATCCTTCCTGCGGAGGAAAAAGATGCTGTAGCATCTGAATTGCTCCACCATTTTCATCCCTTCA  
ATCAACTCCACTTTATCGATCAGGCAACTACCTTCCCAAGGACTCTCCTTTCAGCTCTGGCCGGCAGCCACCAC  
CCTCGTCAACCTTCTCGACGATCATCGCTCTCATCTCAAACCAACCCTCTCACACCCACTCTCACCGCCTTACG  
CCACGCATCAAAATCTCCAACCTCTCAAAGTTCTCGAGATCGGCTCCGGTACCGGTATAGTCGGAATTGCCGCC  
GCCGCCCACTCCGAGCAAAAGTGACCATACCGATCTATCCCACGTGATCTCCAACCTCCAATTCAACGTCGA  
AGCCAACGCCGGGATTTTAGCGGCGAACGGCGTTGCGTTCAGGTGACGCCACTTCATTGGGGAGAAACCAT  
TGATGCGAAACTAATTGAGCTGGATTTGACCTCATATTGGCTTCCGATGTTGTGTATCATGACCATTTATACG  
ATCCTCTTATCCAAACATTGAAGGACTTTCTTTAGGCGGAGGAAACCCCAATATGGTGTTTCTGATGGCCCAT  
TTACGGCGATGGAAGAAGGACTCGGCCTTCTCAGGAAAGCAAGAAAGTTTTTTGAAGTTGAGGTTTTACATA  
CTGATCCTCCGCCGCCGGGATCGAGAATTGGAGTTGTTGTATACCGTTTTACTGCTAAGATGAGCAAGAAACC  
GGCCATTGGTTCAGCAAACCAAGGTTGAATATTAATCCTTTAGTCCATTATCATTTTTCCCTTTTGCTTTATCCTC  
TACTGATGATATGGAACATTTGTAGAAAAATAAAGATCACTAGGCTTTGTTCTTATTAGCCAATTAGGAAC  
TCTGAAGTTCACTCATTGTTCTCTGCCATTGCATCATTTCAAGCAAATTCAGGATAAAAAATTAGTACAAAAA  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1717 XM\_002864970|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata exonuclease, mRNA

AGAAACTACTTCTTCATCGGATACCAATCAATGTACCAAGTGAAGCATTGGCTCGGGCTATTCATGGTGACTTT  
ACCATTGAACTTAAGCCACCTAAGAAAGGTCAAGGGGGGGATATATACTCTGCACTTGCCATTTTCAAGAATC  
CCAAGGAGGCACAGCAAGCATTGAAGAGATTGAAGGTAGCGCAGATGAGGACTCATCTGGACGGCCTCAA  
AAGCTCATCAGATTCAACATTCTGGATCCATTGTCAAGTATCTGTGTTGCAAAAATGGGACAAAAGGACTTTGC  
AGACAAATTCTCGTCTAAGAAGAGAGATCTGGAGGTGATTGAAAACATAGTCATGTCCAAAAGCAGAAGAC  
TGACAATAAAATGGAAATTGAGACAATTTCAAACCTCAAGTAAATGTTGCAACCATGTGGAGGAGGTTGAAAG  
ATTGAAGCAAGAATTGAAACGAAAGGAGGACTCGACTCACTGTTGTGATCACGTGAATGAGGTTGAGAGCCT  
GAAGGAAGAATTAAGAAGGAAGGATTATGAACTTAGTATCCTGCGTAAACTATCACCATTGTGAAGAAGGA  
TAGCAAAAAGAAAAAAGGAAAGAAGAGGTAAATTTGCTTTTGATTTATGGCGAGATTATGAAGACATCCAC  
AAACAGTTCCATCCTTCTATTACGCCAAGATTCAATTCCTACCGCCGGACGAATGATCTGACATAATTTATTTG  
AAGACTCGGTTCCCTTGTAGATTATTGTACCAATCTCGCAGGGGCAAGAGAAAAAGGGGTTGCACTTCCCGGT  
CTTATTGCTGAAGAGAATGGTATCGTGTATGGTTTGCCCAACTGCTTCAATAAGAGCTTATTCTTAGATTATT  
GTACCAATCTTGAATGAGAGCTTTTTTTTTTGTTCGCTTGTGCACCAAGTTCATTCATTTTCAACGTTTCTTTT  
TACGTCTGGGTTGTCTAATTTCTGCTAAAAATATAAATTTTTATTGAGACACTTCTCAATTTTGAATTGTATAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1718 NM\_203271|Arabidopsis thaliana AKRP (ANKYRIN REPEAT PROTEIN); protein  
binding (AKRP) mRNA, complete cds

ATCGGAAGTTAATCGGAGAAACCATGTCGCTCGCCGCTTCCCTGAATATTCCCGTAGCTAAACTCTTCTCCTCT  
CGAATTCGCCGCTCTTCAACCCAATTCCAACAAGCTTTCTTTCAATTCTTCTCTCAGACCTCGAAACGGAGTCT  
CTTCTGTTTTCTTCTTCCCACTCTTCTACTCTATCCAACCAGATGAGTTAGAAGATTCGTCATCGGCGATTG  
TGTTATTTTCGAAGATGGCGTGTTGACGACCCATATGCGTCGGATGATTGAGTGTGGATAGTTCCATTCCG  
AGCACAGCGAAGTTTAAGCCCAAGAGCCCCGTTGTGGAGATTAAGCCCCGAAAATCTGGTGCCAGATGAGTGG  
AAAGAAGTGCAAGCGGAGATTACCATCACGAAGAAAGAGAGGCGGAAGATTGCTCAGGAATTGGAGTTCGG  
TACTCGAGTTGAGAAGAAGAAGAAAGCGCTTGTTCTTTGAGGAGTGTGAATTTGGAGGAATATTTATCGTAT  
AAGGAGGCGAAGATGGCACAATTGAAGCCACTTGTTCTTGATAATCCGTCTAGTTTTCCGGCGACTGAGGAA  
GTTAATAGGACGGAGGATGCTATGAGCAGGTGAGCGAGCGTGTGGCGCCAAAAAATCCTAAGTGGGCGG  
TTTATGGTAGGGGGCTGGAGGATGTTTCCGAGTTCTTAATAGTGGACAATACCAGCCTGCTGATAGAAAATC  
TGAAGGACCTCGCAAGTTATTTTCAAAGAGGAAAAGGCTATGCTGAATAAAAGGGTGCCTGATCTTGCTTCT  
GCTCATTCTGATATGTGGTTGCCTCTACATACTCTTGTCGGGTCTGGAGAATTTACCTTGTTGGATGAACTACT  
AAAAACAATGTTGATATCAATGCTGTGGATAAGGTTGGTTTCACGGCTCTTCACAGAGCTATACTTGCAAAA  
AAGCAAGCCATAACTAATTATCTTTAAGAGAAAGTGCCAATCCTTTGTTGAGATAAGGATGGCGCAACTTT  
GATGCATTACGCTGTCCAANCTGCTTCGAGT

>trans\_c\_1719 XM\_002889713|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata emp24/gp25L/p24 family protein,  
mRNA

AAAAAGGTGAAATTTGAAAAGAGTACGCGAGAGGGTTCCAAAACCTTGGGCTCTCAAATACCGATCACCAAC  
CAAATCCAACGCCATTAAAGCTCCAGCTTCGACCCTACCAACTACATCTCCCAAGCCGTTTCTCCCATTTTTCA  
TTCTAACGTTTCGCATATCTCTCTCTCTCTCTCTCCAGTTTTCTACAATTCAACAGAGAGTGACTGAGAG  
AGAGCGCGTTCTTTGGAGAAGACAGCAATGGAACACTGGAGGATGATTCTGCCGTCTTCTCTGTTAATTTTCA  
CCTTCTTGGTGACGGATCTTCTGCGCCCTACACATGCCATTTGGCTTAACCTTCCTTCAACAGGAACCAAGTGC  
GTCTCTGAGGAAATCCACAGCAACGTCGTTGTTTTGGCTGATTATGTTGTAATCTCTGAGAATTACACCCACAC  
GCCCACCGTTTCCGTCAAGGTGACATCGCCTTACGGGAACAACCTCCACCAAAAGGAGAATCAAACGACTGG  
GCAGTTTGCAATCACACAGCGGAGGCTGGCAACCATCTGGCATGCTTTTGGGTTGATGGTCATCATCAGGGT



GGTGGTGAAGTTAGCTTAAATCTCGATTGGAGAACTGGGATTTAGCTAAGGACTGGGATTCGGTTGCAAAA  
AAAGAAAAAATTGAGGGTGTTCAGCTTGAGCTCCTGAACTTGAAGGGCGGTACAGGCCATTCATGAGAAT  
CTTATCTATCTAAAGAACAGGGAAGCGGATATGAGGATAGTTAGTGAAAAACAAATGGAAGAGTGGCGTG  
GTTTAGCATAATGTCTTTGGGTGTTTGTATTTTTGCTTCAGCACTTCAACTCTGGTACTTGAAGCGATTCTTCCA  
TAAAAAGAAGCTCATCTAAATACTATTCTTTTTCTCTAGTCTTCTTTTGATTTCTTTTCTTACACCAAGAAGT  
ATAAAGGGCATGATACTAGATTGTAGACTATATGAACCTTTGGAATAAAATTTATCATAGAGTTGTTTTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1720 CT028867|Poplar cDNA sequences

CCTCATCGGAACTCGACGGAATCACACAAGGAAGCCCGAAAAACAGAGAGGCCAGACATCCTTCATTCTC  
AAACAACAACGTGCCTTTCATAAACATGGACATCAACCTCGAGAAGAAGAAGAACATCAAAATCAAACCTCAC  
AATCCCCATCATAATAATCATCACCATCATCTTCCAATGAAATTCGATGAAGATAGACAAAACAGAGATGGGT  
ATTCATTTTTAGGCCAACCCATTTCAACATCGGCGGATTTGGCCAATACCCAATCGGAGAAATCGCTAGATTC  
GACGCCGATCAGTTCACTCCAAGATTCTCCGGCAACAATGGCGTCTCGTTAACTCTAGGCCTTCCCCATTGCGA  
ANATCTCTCCTTAAACCCAGCTACCCACCAAAGCTTCTCCCCAACCCAGAGCATCCATTTAGGAAGAAGAACAG  
AAATTGGAAAACCCACTGATTTTTAGCCATTAACGCTTCTACAGCTCATTCTTCCACTGCTTTTGATACCATCA  
ACATTCAAAATGAAAAAGGTTTGCTGCTCAATTACTTCCAGATTTTGTGGCCTAAAACCAAATTTCAAAACA  
CGGAGGAAAATTCAATCCGCCATTCTCAGATTCTGAGCAAAACACAAATTGGAGGAAGAAATTGCTGTTAAGGT  
ACTATTGTAAAAAAGGACACAACAAAAAGACAAAAAAGAAAAATTAAATAAGCAAATTTAATAGTATAGTT  
TTTAATTTTTTTTTTTTTTTCATTTACACTTTGCATAGAATTATAAATCTCAATCAGTGGGTAAATTAGAAGCTTTAGG  
GTATATATATTTTTGGGGATTGTATATTGTTTTTTGTAAGGGCTTTTTTTTTCCTTAAAAAAAATGGGTTAGAT  
GGATTGTTATGATTAGATCAGTTTGGCTGGTGTAAATGTGTTATTATACCCATTATATTATAAATATATGAATA  
TTGATTTCAAATATATGTATATGGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1721 NM\_179666|Arabidopsis thaliana CLASP (CLIP-ASSOCIATED PROTEIN); binding  
(CLASP) mRNA, complete cds

ATACAACGACGAGGCTGCTCTAGACCTTGAATCTCATCAACACAAAACCTGTAAGTCAACTCCATGGTGGAC  
ACATCCCCTAGCATTCTCAAATTCTTACCTGATCAGTACTGGCAATAGTGAAAGCCCTTCTGCAAGCAAATG  
CAGTGCGCTTCAACAGTTAATTGAACTTCTATAAGTAGTGATCCATCCATTTGGACCAAGTACTTCAATCAAA  
TTTTGACAGTGACACTGGAAGTGTTGGATAATTCTGATTCTCTGTACGTGAGCTAGCTCTTTCATTGATAACT  
GAAATGATTAAGAACCAGAGGGATTCTATGGAAGATTCTGTTGAAATCGTGATTGAGAACTGCTTCATGTTA  
CCAACGACATTTTTCCCAAAGTATCAAATGATGCGGAACATTGCCTGACTATTGTGTTATCTCAGTATGATCCA  
TTCAGATGCTTAAGCGTAATTGCTCCTTTGTTGGTTACTGAGGACGAGAAAACTCTTGTTACCTGCATCAATTG  
CTTGACAAAGCTTGTAGGACGGCTCTCGCAAGAAGAGTTGATGTCACAGTTACCCACATTTTTGCCTGCTCTCT  
TTGAAGCATTTGGACATCAGAGTGCTGACGTAAGGAAGACTGTTGTCTTCTGTCTTGTGACATCTACATTATG  
CTTGGGAAACAATTTTTGCCACATTTGGAAGGACTCAACAGCACTCAACTACGTTTGGTCACAATTTATGCCAA  
TCGAATTTGCAAGCTAGGACGGGAACAACCATTTGATGGCAGTCACGATTAGGGAGTTTGCTTGCTTGTAATG  
TAACTTCTGATGTGAAGTAAGTGTTAGTATATCCATTCTTGGTTAATTCTGTATATTGTGTGAATACATTAT  
GAAGGCTCTATCCACTGACCTATAAATTTTTTTCTTTTCAACCCATTATATATTCTTTTCTGTCATTTACCCAGAT  
TGGGTGGAAGTCAAGAGTGTTTGAACTCATTATGAAATTCAGTGATTGAGCCCAATTTGTATTTTACCATT  
CCTGAATATTATTTATAT

>trans\_c\_1722 XM\_002877935|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata skp1-interacting partner 5 (SKIP5),  
mRNA

ACAAAGTAAACGACAGGAAGCTATGATTTGGTCATCTGTTGAGTGAGTCGGGAGCTTCGTCGTGGG  
GCTATGGCCAAGGCCGATATGAGTCGAGTGGTAAAGGATCAGAGCCGGGTCGCCATAGTTTCAATGGAAGA  
AAACAAGCAAAGAAAGTGGAAAAGAAAAGGCACTTCGTCCTCCTCGCCTTCTGTAAACAGTTTGGACGATGGT  
TGTCTAATGCATATTTTCAGCTTCCTTCCCCCATACAGATCGGTATAACACCGCCCTCGTTTGCCACAGATGG  
CGTTACTTGGCCTGTCATCCTAGGCTGTGGCTGCGAGTAGAACGAACTATTAAAGATTTATCTGAGCCGGGAG  
TTTTCCCGACCATCGAGGCGGCTGTTGCTGCTGCTAGGCCTGGTGACACCATACTTATTGCAACAGGTGGAGT  
TCATTCTGCCTCTAACATTCAAATAACAAAACCACTTTGCCTGATTGGTGGAGGTGAGCTTCCTGAGGAGACTA  
CACTTTTCTGTACTCGTGGTTCAGAGAGTGCTTTGGAGTTCCTGTCTACCAGTAAGCTTTCTAACTTAACAGTCA  
AGGCAGAACTTGGTTGCTGCTTGTTCACAGGAAGGGAAGATTGATTGTAGATGGATGTGTCCTCCAATGTGA  
GTCAAACCTTTGGATTACCTATCATGCCCCATTGTTGTACAGCAAGTCCAGATAAGTTATTGCCTTCCTCAGT  
GAAGGGTGGTTATACACACGGCGTTTCTGTCTCTCACTCGTATTGAAGGCGGGGCCAAAGCTGTCCTAACA  
AGTGAGGACCTGACATTACAGCATGTTGAGTTATTTATGCTCGAACGGCTCTTTATTTTGGTTTGATGTTGA  
ATACAAGTTATAATAATGGTGTGTAATCTATTAGCAATGTGCATTTGTTACGAATTGTTAATCTTTTAGGTATG  
TTTGTATATTGGTGATTATTTAACTCGTATTGTGTCTCTGTTTATGCTTTTGCATAATCCCTTTCAATTTGTGT  
GATTGACATCTGTGTATGTTGAG

>trans\_c\_1723 NM\_001054301|Oryza sativa Japonica Group Os02g0685600 (Os02g0685600)  
mRNA, complete cds

TTATCTGGAGAGGTACATTATTCGTCGGTAACGTCGGTGATTCCCGGGCTGTTGTTGGTTCTTTAGGTAAATCT  
AATAAGATAGTTGCAGAACAGTTGACAAGGGATCACAATGCAAGTATCGAGGAGGTTAGACAAGAACTCAG  
GTCCTTGCATCCTGATGACTCACATATTGTTGTTATGAAGCATGGAGTTTGGCGTATCAAAGGCATAATTCAGG  
TTTCCAGATCAATAGGTGATGCATATTTAAAAAAGCCAGAGTTTTCTCTCGATCCATCCTTTCCACGATTCCATC  
TTGCAGAGCCTCTTCGACGGCCTGTTCTTACTGCAGAACCATCGTTAAGTACAAGAGTTCTACAACCTAATGAC  
AAATTTCTCATATTTGCATCTGATGGCCTCTGGGAGCATCTAACAAATCAACAAGCAGTCGAGATTGTGCATAA  
TAACCCAAGAGCAGGAATTGCAAAAAGACTCGTTAAAACAGCACTAACTGAGGCTGCAAGGAAGAGGGGAAA  
TGAGATACGATGATCTGAAGAAGCTCGAAAAAGGCATACGACGGTCTTTTCATGATGGTATCACGGTTGTTGT  
CATATTTCTGGACCATGAGTTGCAAGGGAAGAAAGTACGTGTACCAGAGTTATCTGTTCTGTTGGGTTTTCCGAT  
ACCGTCGGACCATCAAATATCAATGTTCTTCGAGGCATCGATGAGAATGGAAGGTCTGCTGGCTGAAGTTAAA  
AGGTTTAACTTGATAGGATGAATCTGATTGTTAGAACACTCATATAGTAGCAGCTGTTACTTGCAATTTGGGTTT  
GGGACTTTTTTTGAAACATTTGGTTGAGTTTATCAGCTTTTTTTGTGTTCTTTTTGCTCAAATTCCTTTATGCAG  
AAAGTTTGAGGTTCTTTGCTTTGCTTTCTGATTTGCTCATCTTATGGTCATAACTCTCTTATAACAAAAGCTGG  
GAATTCATTTTGATTTGAATATGGAGCTGTTTTGCTTCAGAAGTGGAATAAATTTTATTGGCTTTGGGATTTTC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1724 AY106318|Zea mays PCO134492 mRNA sequence

ATATTTATTATTAATGTAGTAAATACTAAATAGAAAGTTAGGTCACGCCGCCTCTATCATCTCTTGGTCACTCTC  
TCGTCTCGGCCTCTCGTCTGACGCCGTCGCCGGCGTTCAATCGTCTCTCCTTCTCAGTCTCCGGCGTTTCATCGCC  
GATCGTCTCTACTTCTCAGAAGTCTCCGATCATTCGCTGGCGCTTGGCTCTCCCTAACCGTTGCTTTGCTTTGTT  
GTGTTGCCGTTGGCTACGATACTTTTGCATTTCAATCGGATTATTTTTCTAATAACTTTTGCTTAAGAAATTTA  
GGTTTGTTATTTGCAGAAGAAAAGAATGAGGTTGGAGAAGTGTTGGTTCTGTTCTCCCTATATATCCAGGA  
CATGGTATTCAGTTTGTTGCAATGATGCAACGATTTTATAGATTTTGTGATCAAAATGCCACAAGAACTTCAA  
GATGAAGAGAAATCCTCGTAAAGTAAAATGGACTAAGGCTTATAGGAGGTTGCATGGAAAGGATATGACAAA  
GGACTCTACTTTTGAATTTGAGAGGTGGCGTCATAGACCACATAAATATGACAGAAATGTCACTGAAGATACA  
TTGAAGGCTATTAAGAAGATTGATAAAATCAGAATGGATAGGGAGTCGAGACATATTGCACGCAGACACCAA

GGAAAGAAAGCAAAGGAGTTCAGAGAGGCAAAGAAGGAATTGGATCAAAGCATCAGTTTGGTCAAAGCACC  
TTCCGTTCTCAAGGAGGATCCTTCCCTCACCCCTTCAAAGCTCAAAGTCAAAGTGGTACCAACACAATCAGAGC  
AAGATCGTATGGAAGAATGAGTTTTCAATCTTATATCACTATATCAAATATTTACGTAGTAGTTACGTTTTAACA  
TATCTAGAACTGTCACAGTTCTTGTGCAGTGGTAGATTATCTTTGTTTGCCTCACGCAAGAATGGTTGTCATG  
TACAATTTCAATTTGTAGACAGATTTCTAAAAAATTTTATTGAATCATTGCCAACTGGTTTTTGCGGTTTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1725 NM\_001055341 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0123600 (Os03g0123600)  
mRNA, complete cds

CTTCTTTTCTCTTCTTCTACATCTTTTCTATACCTTAATTCTCATACTTTGAACAATTTTCAAGCTCTATTTAGCA  
TTGTTTTGCCTTCTCTCTAGATTCTGGTTGTTGGGCAGCCATGGCTATGCAGCAGCAACATCTTGATAAGATGC  
AACTCCGCCAGAACTATCGTAATCTCTGGCACACTGACCTAATGCGTACCATTACAGGCTGACACTCCCTATTGC  
TGCTTTGCGTTGTGGTGTGGGCCTTGTGTATCCTATTTGCTTCGTAAAAGAGCTCTATACAATGACATGTCAAG  
ATATGTGTGCTGTGCAGGCTATATGCCTTGTAGTGGCAGGTGCGGAGAAAGTAAATGCCCTGAATTTTGTCTG  
TGCACAGAGGTTTTCTCTGCTTTGGGAATTCAGTGGCCTCAACTCGATTTCTGTTGCAAGATGAATTCAACAT  
ACAGACAACACAATGTGATAATTGCATTATCGGTTTTATGTTCTGTCTACAACAAATAGCTTGCAATTTTCCAT  
CGTTGCTTTGATAGTAGGAAGTGAAGAAATTCAGGAGGCTTCACAGCTGCTCTCTTGGCTGATATGGTT  
TATTGCTCGGTTTGCGCATGTATGCAGACTCAACACAAAATTGAGATGGATAAGAGAGATGGCATGTTCCGAC  
CACAAGTAATGGCAGTGCCTCCTGCTCAATATATGTCACGGATCGATCAGCCAATTCCTCCCTCAGTCGGATAT  
CCACAACCTGCATACGGACAGCCTGCTTATCCTCAGCCTCAAGTTATCCAGCTCCGGGCTATCCACAACCAGG  
TTATCCCCCCTGATATAGGTAATATCTGCACTCTTCCGAGATTCCGCCATCATTATTGTGTTTTTTGTCC  
ATGCTTTTTTGATTTTCATCAAGTTTGTGCTCTCTCTCACTTGTATGTGTCGATTTGTATAATGAATTAATA  
CAGAGTACATGGTGTGAAGTTGGTTAAAGAATGATTTGGATGTGCTAAATTTCTCTACTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1726 AJ309069 | *Sesbania rostrata* mRNA for lipoxygenase

CGCTTCGACATGGAAGGCCTTCCCGCCGATCTCATACGCAGGGGAATGGCTGAACCGGACCCTTCAAAGCCTC  
ATGGACTCAAGCTTTTGATGGAGGATTATCCGTACGCTAGCGATGGGCTTCTGATTTGGGCCGAATCGAGAA  
TTGGGTAAAAACCTATGTCACTCATTACTACCCAAACCCTAGCATGATCCGCGAAGATGAAGAGTTGCAATCCT  
GGTACTGGGAGTCCGTCAATGTAGGCCACGGTGATCTCCGCCATGAAACCTGGTGGCCGGAATTGAACAACT  
GCGACGATCTCATCTCCATTCTCACCACGCTCATCTGGCTCTCATCGGCACAACACGCAGCACTAACTTCGGC  
CAGTATCCATACGGAGGCTACGTACCGAACCGACCTCCATTAATGCGTCGACTAATCCCGACGAGAACGATC  
CAGAGTACACGATCTTCTGAACGATCCTCAGAAGTATTTCTCTCAGCATTGCCTAGTGTCTGCAGGCGACG  
AAGTTCATGGCGGTGGTAGATACTATCAACTCACTCGCCGACGAGGAGTACCTCGGAGAAAGACAGCAA  
CCGTCGATTTGGACGGGGGATGCGGAGATGGTGGAGGCATTTTACGGATTCTCGGCGGAGATCAGAAGGAT  
TGAGAAGGAAATCGATAGAAGAACTCGGATGGACGGTTGAAGAACCAGGTGCGGCGCCGGAGTTTTGGCGT  
ATGAACTGCTAGCGCCAAGCTCCGAACCGGGAGTTACTTGCCGGGAGTTCCTAATAGTGTGTCGATTTGAG  
GCAATTCCATTTCCCGCCATTGTTGAGGTGAAGAGGAATATTTATATGAATTTATTTAAATATTTAGAGAAGGA  
AAAGAAAATAGTAAATTAGGGATATTTTGTAAATGCTGTAAAGCTTGAGCTTTAATATAATGATTAATTAGA  
TGAAATTAAGCAATAAAGTTTGTCTATAGGATGTATAAATGCATTGAGCTTAATGTAGCACAATTTTAAATC  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1727 NM\_001066004 | *Oryza sativa* Japonica Group Os07g0418000 (Os07g0418000)  
mRNA, complete cds

AACAACAAAAAGGAGAAAAAAAGGAAAAGGAGAAAAAAAGTTCGAGTCTTCTATCTATTATCCGATCGATTG  
GTCGGTGAGAAGCCAAGCAGAAGATGGGAGATCTCTATGCTTTGGAAGTTCGATGGAGTTCTCTGCGATAGCT  
GCGGTGAAAGCTCTCTTTCTGCTGTTAAGGCTGCTAAGGTAAGATGGCCTGGACTGTTGACGACGTGGATTG  
CAGTTTGGAGAATTGGATTGTGGATCAGATGTACACGGTCCGCCCTGTGGTTGAACTGGATATGAGAATTTA  
TTGCTGGTGAGGTTGCTGTTGGAGATGAGATTACCCTCAATTAGGAAGTCTTCGGTTGCAGAAGGGCTCACA  
GTTTCATGGAATATTGGAGAATTGGTCAAACTCAAACCAAGTTATCATGGAAGAATGGGGAGAGAAGAATAGA  
GATGCTCTCATAGACCTTTTTGGAAAGGTTAGGGATCAATGGATTGACGAGGACTTGGCAACTTGGATCGGTG  
CAAATAGATTTTATCCAGGTGTTTCTGATGCTCTGAAGTTCGCAAGCTCAAGGATATACATAGTTACCACAAAG  
CAGGGTCGATTTGCCGAAGCTCTACTACGTGAAGTCTGCTGGAGTGACCATACCTCCTGAAAGAATATATGGTC  
TAGGGACGGGCCCAAAGGTAGAAAGTGTAAAGATGCTTCAAAGATGCCTGAGCACCAAGGATTGAACTGC  
ACTTTGTGGAAGATCGATTGGCTACGCTAAAGAATGTCATCAAAGAGCCTGAATTAGATGGGTGGAACATAT  
ATCTGGTGGACTGGGGATATAACACACAAAAAGAGAGAGAGGAAGCAGCAGGGATTCAAAGGATTCAACTT  
CTTCAGCTATCTGACTTCAGTACGAAGCTCAAGTAACACTCTTCATTTTTCCAGTTGATATTGATGTATCCTTCT  
TGCAGATGAATGCTATTCCTGATTATTTATCTAAGACATAATCCGAATTGATATTCATCTTTAATAATTATATTTCT  
CTTTTACCCAAAAA

>trans\_c\_1728 NM\_001057571 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0708400 (Os03g0708400)  
mRNA, complete cds

ACCGCAAAACTGAAATCCCACTGTTTCCTCGTCGGCGGCGTCATGGGTACTGTCATCGACTCCCATTCTTG  
GCCCTCACTGCCATTGTCATATTGGGTATCAACTGGCTTCTTTATAATCACAGCTCTTCTCAAGTTTGACAAA  
GTCATGATTTGCTGGTAGCACAAATTTGTGATACTTGCTGTTTTGACTCTAGTTCTTAAAGGAAGTTGGCA  
TTTTAGACAGGTAATTCTGTCTGTGCTTGTAGTGGCATGGGGTCTTCGCCTTGGTTTTCTTGTTAATGAGGAT  
TTTGCAATGGGGAGAGGACCGGCGTTTTGATGAAATGCGCAGTAATTTGGGAAAATTGGCAGTTTTCTGGAT  
ATTTCAAGGCTGTCTGGGTCTGGACCGTAAGCTTACCTGTCACAGTGGTCAATGCAAGCAATCACAACCCATCTC  
TCCGAGCTGCAGATGCAATTGGGTGGATTATTTGGTTAGTGGGTTTTCTAATCGAAGCTACAGCTGATCAACA  
AAAATTGACATTTAAAACTCTCCAGAAAATAGGGGGAAGTGGTGAATGTTGGACTTTGGAAGGTCTCACG  
TCATCCTAATTACTTTGGTGAGATCTTTCTTTGGTGGGGAATCTTCGTTGCTTCCACACCCGTTCTGGATGGTGC  
TGAGTGGCTTGTGATACTTGGTCCAATATTCCTCACATTACTGCTTCTTTTGTGAGTGGGATCCCACTACTTGA  
AGAAACAGCTGATAAGAAATTTGGGAATGTGACTGAATACGTACATTATAAAAGAAAGACTAGCCCCCTAATC  
CCACTGCCTACCGCAATATATGGAAACCTGCCCTCCTGGTTCAAGAAATTTTTTTTATTTGAATTACCTCTTTAC  
AGCCGGAATCTTCTGGGGGAGACCTAACTGGTGTAGAACAAGCAAGGGAGAAAGCAGTGATAGATTGAA  
GATGGGTTAGGATTGGACTTGTTAGAATTCTTGTTCAATTAGTTTGAATTTGAATAAAGCTTTACGGCACTGC  
TAGAAACATTCATCACCATTCT

>trans\_c\_1729 NM\_128919 | *Arabidopsis thaliana* cinnamoyl-CoA reductase family (AT2G33590)  
mRNA, complete cds

ACCAGCAATGGCGACGATGGCGATGAAGGGGAAAGTTTGTGTTACAGGTGCTGGAGGGTTTATTGGTTCATG  
GCTGGTCAAACCTTCTGCTATCCAGGGATTATATTGTCCACGGAAGTGTGAGGGAACCCAGCGATGCTAAGTAT  
GCTCACTTAAGAAAACCTTGAGAAAGCCACCGAGAATTTGCAACTGTTAAGGCTGATTTACTGGACTACCACT  
CTCTGCGTTCCGCGATTGCAGGATGTGATGGAGTTTTCCATGTTGCTGTCCAGTTCTTCCACAACCTTCATCAA  
ACCCCGAGACAGAAGTGATTGAACCTGCCGTAAAGGGCACACATAATGTGCTTGAAGCTTGCCTTGAAGCAA  
AAGTTAAGCGAGTAGTTGTCGTATCCTCAGTTGCTGCTGTGTTTTCCAATCCCAGTTGGCCACGAAGTCGAGTA  
ATGGATGAAAGTTGTTGGTCTGATATGGAGCACTGCAGAGCTTCTAAGGACTGGTATTTTCTGGCAAAAACAG  
AAGCTGAAAGTGAGGCCTTGGCGTTTGGGAAAAGACGTGGGCTTGACGTTGTGACTATTTGTCCTACCCTCGT

TATCGGGCCAGTTTTGCAGCCAACAGTCAATGCCAGCACCTTGGCTCTTCTCAGAATTCTAAAAGAAGGGTGC  
GAGTCAATGGAAAACCGGCCACGGACGTTAGTAGATGTACGTGATGTAGCAGAGGCACTAATTCTTTTATATG  
AGAAGAGGGGAGGCAGAAGGAAGGTACATTTGTACAGCGCATTCAATTGAGACACGGGAGCTGGTGGATGCA  
CTGAAGAGCAAGTATCCTGATTATAGCTATCCAAAGAAGTTGAGTGAATGGAAAGCGGAGCCAATAAGTCTA  
AGCTCGGAGAACTGCAAAGATTGGGTGGAAGTATCGGGCATTGGAGGAGACGCTTGACAGATGCTGTCCA  
GAGTTTCCAGGACGCCGGCATGTTGGAGTGATGACACCGATCGCTCACTTTTACCCTCTCATCACTCTTGGGTG  
CTCGTTTGTATTGTTTGTACCATCTCTGTCTCTG

>trans\_c\_1730 XM\_002876630|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata universal stress protein family  
protein, mRNA

ATCGATGAATGGATTTGTATAAAATTATGCAATTAGGCCTAAACAAAAAATGGATTCCGGGGGTGTGATCCAC  
ATCCTGAGGCCAATACAGTTCTCGACGCCATATATAAACACACACACATATACCATTATTCATTATAGCAGCGC  
TAGCTCTAACATCATCTCAACAAAAGTACACTCAAATCGAGGGAAAGAAAGACGATAATGGAAGCAGCGAAG  
AATTCATTGAAGGCGAAGGGAGAGAGCCAGAGGATCGTGGTTGCTGTGGACGAGAGTGAAGAGAGTATGTT  
CGCCTTGCAATGGTGTCTTTCAAATCTCACTTCTCCAGACACCAAAAAACACTTTGATTCTACTCTACGTTAAGCC  
TCCTCCAGCCATCTCAATCTCTTCCTTCGATGCGCCTGGGTATGTGTTTTCAAGCGAGGTGATTTCCGGCGATGG  
AAAAGCAGAGCAAGGATTTGGTTAGCGCGGTGATGAAGAGAGCGGAAGCGGTTTATGCGAAGTTTAGTAGC  
AACGTAAATTTGGAGAGAGTAGTTGGGAAGGGAGATGCGAAGAACGTGATATGTCGCACGGTGGAGAAGCT  
TGGAGCCGATACCTTGGTAATGGGATGCCATGGTTATTTAGGCTTCCAGAGGGCATTGCTCGGGAGTGTGAG  
CGATTATTGTGCGAAAATATGCAAAATGTCCCGTGGTTATTGTGAAACATCCTTAAGATTCTAGAGAAAAAAA  
GAATAATTAAGCCACCAAGAGAATTAACGGAATTTAATTGGCATGATCTTTCTATGAGAGGATGGAGA  
CTTGATTTCTCATCTCGGAGCATTGTATTAAGAAATAAGGTTGTAATTCAACTGTACTATTATATGTTATAATC  
TCAATGGAAATTAGGTCTCTTTACTTTTCGAGGATGATAGAGGAAACGTTCTACTTATTTTAAATTGTTGAAATT  
TAGTAGTTTAAATTATAATGGAGTGGATATACAAAGATACTTAATATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1731 NM\_122001|Arabidopsis thaliana plastid-lipid associated protein PAP-related /  
fibrillin-related (AT5G19940) mRNA, complete cds

GTAAAGACAACCCCGCAATCCATCTCGTCGTGGGTCCGACCTCCGATTCTCCCCACGCAAATTTAGCGGCG  
AGCCAAATGCCATCCCAGCGTTCATCTTCTGATCCTGTATGACTTCCATGGCTGCCTCGGCAACCTCCGTTGCA  
CTTTTGCCTTCAAACTGGTTTTAGGGGACGATTCGAGCAGTCGAGATCGAAGTTTCTTACTCCAAGCTCAGC  
ATCCTCAATTCCATGTCATTCCATTTCAATTTTCATCTCCGTTCCATCGGCGCAAGCCATTAGGAATTCAGGCGTC  
GGTTTCGACCTCGGATCCTCAAGTCCGAAGTGGTCTGATGATCTCGTTGCGTCTATCCTCTCGAAGGTGACAG  
GAAGCGATAGAGGAGTATTACTAAGTGAAGAAAAGCACAAAGAGGTTGCTGAAGTCGCGCAAGAATTGCAG  
AAGTATTGTGTAAACGAGCCTGTAAATGTCTCTCATATTTGGAGCTTGGGATGTTGTGTATTGCTCTGTACC  
AACATCGCCTGGGGGTGGATACAGAAGTGCAGTGGGTGCGATTTTTTTCAAGACAAAGGAAATGATTCAGGT  
TGTGGAAGCTCCTGATACTATAAAAAACAAGGTGTCATTTTCTGCCCTTGGTTTCTGGATGGACAAGTCTCTT  
TGACAGGTAAATTGACGGCATTGGATGATAAATGGATTCGAGTTGTGTTGCAATCGCCTGAACTTAAAGTTGG  
AGGATTAGAGTTTCGATATGGTGGCGAAAGCGAGGTACAACCTCCAGATTACATACATAGATGACAAGGTTTCG  
TTTGGGAAAGGGTTCTAGAGGTTCAATTATTTGTCTTCCAAAGACGAGTTTGAAGTTGCTAAATTAATGTAGTC  
AATGCTCATATTTGATATCTCTATACTAATTTTACTCTGTGTAGAAAGCTAATATCATCAATATAGATGAGAG  
TTATATTATCACGAATATTCTTTTACTTCTTTTAGGAGGAATGATAGAAAATATCTCAATTTCTGATTACTAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1732 NM\_001188848|Oryza sativa Japonica Group Os09g0326850 (Os09g0326850)  
mRNA, complete cds

ATTTACGATTACCCACGATTTATGTCCTCTCTGGTCGCCGTCGTCCACCTACACCCATCCAGCCTCTTACTTACT  
CCCAGTCGCTACCCCCCTTTGGTCGCCGGAGTCGATAGATCGGCTGTCTCTCTCTCTCTCGATCGCTCACCAT  
CTGCCTCTCTGGTCGTCCATCACCGTGCGGCACTCCATCTTTTTCTTGCCGGAATTTGTGGAGCTAAAAATATCA  
CACTCATTCTTCTTCGACTGTTTTTTACCATCCTCCCAGCCTAACTGAAAAGTTATTTGAGGACCAAAAAACAG  
CAAAGAGCACACAAGAACGTGTTCTGTACAAAGTAGTCTCTAGAGTTCCTGTTTCGTATCCAAGCAGCTGAGG  
TAAATGGGTCTGTGGACACTACTAGAGGGTTGTCTGCTTCTTGCTAATGCACTGGCAATTCTTAATGAAGATC  
GCTTCTCGCTCCGCGAGGATTGAACTTCTCTGAATTCTCAGGAGGCAGAACAAAGTCATTCAAAGGGCAGCT  
TATTGGCCTTATCTACGCCACACAATATTTAAGAGTTCCTCTCATAATGCTAAATGCAATCTGTATCTTTGTAAA  
GTTAATATCTGGATGATGAGCCCCAACCGATATGAGATGTCAACTTCAACTCTGGAAAGATATGACTATCTACC  
ATATTATTATGTTCTCTGTTGAATGTAACAATGGACTGCTTTTAACTTCTGGATTTGTGGGAACACGCATATTG  
CACCAATAGCCAAATCTTTTCGGGACATGTCAAGGTAGAACAGAGTGGAATTTTGCTATTTTTTTTTTCTTT  
TAGAAACGAGATATCGTTAACTTGGTTTCGTATTGGTCTTGCATCAAGATTACGCCATTTCTTTTTTCATGGAAA  
TAGGTATTTTTGGTGGTTTCTTATCTCTCATATTTTTTGTCTTATAACTATAAAGTTACAAGAAAAACAACCTGT  
TCTTCTGTAAAGTAAATTTTAAAAGAAATGTAGTCCATCTACTTCGTTCGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_1733 FJ594405|Glycine max threonine deaminase mRNA, partial cds

ATATAATTGTAAATAATGCGGGTGTGATTAATAAGAAAGGTAAGATTTGGGAGATGAGAAGCATCTTGGAAC  
CTGCAGGTGCTCTTTCTCTTGTCTGGAGCCGAGGCCTACTGCAAATATTATGGCTTGAAGGGAGAAAATGTTGT  
GGTAATAACCAAGTGGTGCAAATATGAACTTTGACAACTGAGTATAGTTACTGAACTTGCCAATGTTGGTCGT  
GAGAAAGAGGCTGTGCTCGCAACTATATTGCCGGAGACACCTGGAAGCTTTAAAAAATTTGTGAACTGGTTG  
GGCCTATGAACATTACAGAATTCAAGTACAGATATAGTTCTGAAAAAGAAGCTGTTGTTCTTTATAGTGTGGT  
ATCCATATGCCTTCCGAAGTACAGGAAATGAAGAATAGGATGGAATCGTCTCAGCTTCCAAGTTATAATCTCAC  
AAAGAATGATCTTGTAAGGATCACTTGCGTTACTTGATGGGAGGCAAATCAAATGTCGAAAACGAAGTTCTT  
TGTCGTTTTATTTTCCAGAAAGGCCGGGTGCTCTAGAGAAGTTCTTAGATGCTTTGAGTCCTCGCTGGAACAT  
TACTTTGTTTCATTATCAAAGCAAGGGTGAACTGGTGCAAATATATTAGTTGGGCTTCAGATTGAAAAAACCC  
GACATGGGCGAATTCCATGAACGTGCTCGAAGGGTTCGATATGATTACGTTGTGGTAACTGATGATGGTATCT  
TTCAGCTTCTGATGCATCATAGACCAACCCACAAGGCCATAGATCTCTTAAGTTGATCAAAATATCAACTTATT  
ATCTTCTCCACGAAAGCGAGTAAAACAAGCTACTCCAAAATCTTGACATTGTATTAGAGACATGGTGATGGC  
CCTCCGTACTTCAAAGGCTACCAAGTATCATCTTTACCTTGAAATTTTGAATGTGTTTGTAACTTAGTGT  
TATCTCTACTTACATAATTAGGGGTGGGGGATCTTCAAATACTATCTCTCTTTGTGTTGATGTTGGAATAGCTC  
TGTTTTATTTGTCCCATTTAAA

>trans\_c\_1734 NM\_001084999|Arabidopsis thaliana SNF7.1 (SNF7.1) mRNA, complete cds

AGTTTTGATTTGATGAACAGAAACCAATAAGTAGATTGCCGCGTGGAGACGAAACAGCGACTTGAAGAGAAA  
GGGAACTCCAAATCTTCGACCTCCGTTTTCCGGAGCGTCTGACGAACCTTTCTACAATTCTACTTCAAATTTT  
TCATTGAATCTTTGATTCATTCTCTGTTTTCTGAATTCGTTTCGGGTCTCATCTTTCTGTTTTCAATCTCTCTGG  
TTTCTCGACTTTTGAAGATCGAGAGAGGATTCTTGTTGCTTGTATCAACAATGTTTAAAGGCTTTTGGTAA  
ACCTAAACAAGAAGCCAATGCTTTGGCTACGTTGGAGAAGCTAAGCGAGACACTTGAAATGCTGGAGAAGAA  
AGAGAATGTTCTTGTGAAGAAGGCAGCTGCAGAGGTTGAAAGAGCTAAAGAATTCACAAGAGTGAAGAATA  
AACGAGCGGCTATACAATGTTTGAAGAGAAAGAGGCTATATGAACAGCAAATAGAGCAGCTTGGAATTTCC  
AATTGCGCATCCATGACCAAATGATTATGTTAGAAGGGGCAAAAGCTACAACGGAGACTGTAGATGCTCTAA

GAACAGGAGCATCTGCAATGAAGGCCATGCAGAAAGCAACGAATATTGATGATGTGGACAAGACAATGGAT  
GAGATCAACGAGCAGACTGAGAATATGAAGCAGATCCAGGAAGCGTTATCAGCTCCAATTGGTGTGCAGCT  
GATTTTCGATGAGGATGAATTGGAGGCAGAACTTGAAGATCTTGAAAGTGCGGAGTTGGAAGAGCAACTTCTC  
CAACCAGCATCAACAGCTCCAGCTGCACCTGTTTCAGTCCCGGCAGGCCGAGTTCCTGCACGCCCTGCTCCTCA  
AAAGAGAACTGCCGAAGAAGACGAACTCGCTGCTTTGCAAGCTGAGATGGCACTCTAATCAGGTAAATGGGA  
TGGATCATACATACATTCAATCATATATGTCGTGGCTGACTGATTGTGTGCATCATCATCATCCAAAGAAA  
TCTTCTGACGAGTGTCTTTTATACGAATTTATTA

>trans\_c\_1735 XM\_002322108|Populus trichocarpa type-a response regulator (ARR3), mRNA

AAAATCACAATAAACGAACAAACCCCTCTTCTCCGATCTCACTGAAAATTTTGGATCCTCAGAATCTCTGCTTT  
TACTCTCCCCATTAATTAACCAACCCATTTTCCCACTTATAAGATGTCCCCATTTTCCCTCTTCTCCATCGCC  
AACCTTTTTTCTTCTCTCTCTCTTTTCTTACATGGCGACGGTTCCTGATCTCTCCGCCGCAACAACGGACTT  
GTAGGGGTTTCCGACGAGTCGAAACAGAGGAGTTCGGGTTCGACTCAGCTTCATGTTCTTGCTGTTGATGATA  
GTCTAGTTGATCGGAAGGTTATTGAGCGGTTGTTGAAGATCTCGTCATGTAAAGTGAAGTGTGTTGAGAGTGG  
GAGAAGTGCTCTTCAGTATTTGGGTTTGGATGGGGAACTAATTCTGTTTCAGTTTAGTAGTGGCTTGAAGGTG  
AATCTCATTATTACAGATTACTCCATGCCTGAAATGACGGGATATGAACTGCTCAAGAAGATCAAGGAATCAT  
CAGCTTTCAGGGAGATTCTGTTGTGATAATGTCATCAGAGAATATTTTGGCTCGTATTGACAGTTGTTTAAAG  
GAAGGGGCTGAAGAATTCATAGTAAAGCCAGTGAAATTGTCTGATGTGAAACGATTGAAAGATTTTATTATG  
GAAGGAGAAAATGGAGGGAAGAAAATTGATCTTAAGAGGAACTCCATCCCGATCATGATCACAACCCCTTG  
TCTCCGGCCTCTCTAGGGCCATCGATGACAGCTTTCGACCAATGCCAAGGATTTAAGCAACGATCGCCACCATC  
ATTACGACCGTCACCGATCATACGTTCTGTCAAAGAACTAGGTTCTCAATGGCACTAATTCACATGATGAT  
GAAATTCAAGTGGTAAAAGCTCTTTGTTCTTTTGTATAAAAGTTGATTGGTGTGTTGGGAACTCAAAATCTC  
CCATTTGCTATTTCTTTTTTCTTTTTGGGTCATTGCTGTTTCAAAGATCTCAGAGAAGTAAGAAAAAAAAGTAC  
ATTGAAGTTTCAATGAAA

>trans\_c\_1736 XM\_002324763|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription  
factor (DREB81), mRNA

AAACAAAAACCCCAAAATCCAAAATCCCCTGTTTTCTCTCCTCTAAAATCACCAATAATGAGTAGTAGTAAAGA  
ACAGAGCCCTTCTCCGGAACAGAGTCCTCTTCTTCATCTTCTCCGATTCAAACAAAAAACCCAAAAGAATTA  
ATTCCAATTCCAGTTCCAATTCAAACACGCAGTTTACAGAGGAGTTCGAATGAGAAATTGGGGGAAATGGGT  
ATCAGAAATTCGAGAACCAAGAAAGAAATCCCGCATTGTTAGGGACTTTCCCAGCCCTGAAATGGCTGCT  
CGAGCTCATGGTGTGCTGCCCTAAGCATCAAAGGAAATCCGCCATTCTTAATTTCCCTGATCTTGTTTCATCTT  
CTTCTCGTCCTGTTTCTTGTCTCCTCGTGATGTTCAAGCTGCTGCTGCTAAAGCTGCTCATATGCATAATCTTT  
CATCTAATGCTAATACTAACAACCATAATACTAATTCTAATTCCTCCTCTGCCTTTTCCGATGAAGTTAGTGAGA  
TTGTTGAGTTGCCGGCTCTGGGAACGAGTTACGACGGCGGAGTTGGTGTGTTGGTGGGGAGTTTGTGTTTGTG  
AGTCGGAATTGGAATCAGCGGCTTGGCTTTACCAGCCACCGTGGGTGCAGAGCTTGCAGGAGGATTATGATG  
ATATAGATAGAGATGGAGATTGTGGTAAGTTGGGAATGGGATTTGTTTCAATGGATTAAAGGGTTTCTGTT  
TGATTATTGAAAAAAAATATTTTGTATTTATTTTCTTCTGTTCTGTTCTGTTTCATCAACTTCTTCTTCTTCT  
TCTTCTTCTTCATCATCATCATCATCATCACCATCATCATCAGTTGTTAAGAACTTAGGTTAATTTTTCTCAA  
AATGTTGTTTTTGTGTTTTGTTTTGTTTTGTTTTGAGTCCTTTTGGTTTTTCTTTTAAAGGGCTTGAAAACTCTGTTT  
TTCTTTTTTGGCCTTATTTTCTCTTCAATGCATACACTGTACAGTGTTGACTGTTGAAACGATATGAAATC  
AATTCCTC

>trans\_c\_1737 NM\_122192|Arabidopsis thaliana harpin-induced protein-related / HIN1-related /  
harpin-responsive protein-related (AT5G22870) mRNA, complete cds

AAATAATGAGAGAAAAGAGAATACAAGGCAAGTTTATTAGTTAAATCATTCCAACATCCAACTTGCAAAGCC  
TCTCTTATATATTAATCCATTCTCATTTCTTTGGTAGTACTCTCTTAAAGCAAAGCCTCTTCAATCAAAGT  
TGGCTTCTTTTCCTTAGCAGAGAACTATCCATCATTGAGCATGGCAGGTCCTCCGCAGCCACCGTCGCGAGCTG  
GCCCCTCAAGGATATTGCGTTTTGTCATAATTTTCTTAGTGGCATTGATCATACTCGTTGGCCTTGCCGTGCTCA  
TTATCTGGCTGACTATTAGGCCGAAACGATTAAGCTACACGGTGGAAGCGCAGAGGTCCACAACCTTCGACAT  
GACCAACACCCAACTCAATGCATCCTTTAGTTTTGGGGTAAGAGCATATAATCCCAATAAACGAGTCTCGGTTT  
ACTATGATTCCATCACCGCCACGGTTGGGTTGCGGTGATCAAGACTTGGCGTTTGGCGTGCTCAGTCCTTTCTAC  
CAACCTCACAAGACGAGCAATGGTTGAACATCCACCTCAACGCTCAAACTTTCTATTGCACGATTCTGTGTC  
GAAGGATTTGGCACTTGAAAGGTCAGCAGGAGAGATGGATTTGGATCTTTGGATCAAGGCAAGAATTAGGTT  
TAAGGTTGGGGTATGGAAGTCGGCGCATAGGACGCTTGAATCCGGTGTTGCGCGGTGATTGTCTACTTGTCT  
AAATCCAAGACTTTCAAGAAGACTACTTGCTTTACAGAAGTCTAAGGTTATGGAATTTGGTTTTTTGCTTTTAT  
CAAAAGTGTTTTCTTTTCTTTCTTACTTTCTGAAAATTGTATTGTTGGTGTGGTTGTTGGGTTAATCTTTCAA  
GTGTTGAATTTGTGAGCTGTGATTGTTGCTTGGTTTTCATTTATGTATATGCTCTTTTTGATCATTTTTTTGCTC  
AGTACAAATGTCAGTCCATTCTTTAACAATAAGTGCAACCATTGTAATTTGATTGATTTAAATAATTGAAAT  
TTTTTATGTAAA

>trans\_c\_1738 NM\_116261|Arabidopsis thaliana ANTR2; inorganic phosphate transmembrane  
transporter/ organic anion transmembrane transporter (ANTR2) mRNA, complete cds

AAGCATTTTGAAGGAACCCGTGAAAGTTATTCCGTGGAAATTAATTTTATCAAAAGCACCTGTGTGGGCTCTC  
ATAATCTCCCATTCTGTCTATAATTGGGGAACCTTCATTCTGTTGACTTGGATGCCACATACTATAATCAGGTT  
TTGAAGTTCAATCTACCGAATCTGGACTCTTCTGTGTTCTGCCATGGTTGACCATGGCTGTTTTTGCAAACATC  
GGAGGATGGATTGCAGACACGCTAGTAAGCAGAGGGTTTTCCATCACTACGGTTCGAAAGATCATGCAATCT  
ATTGGATTTCTGGGACCAGCATTTTCTTACTCAGCTGAGCCATGTTAGAACACCTGCTATGGCAGTATTATG  
CATGGCATGCAGTCAGGGATCTGATGCATTTTACAATCCGGACTCTACTCCAATCACCAAGACATTGGACCAC  
GATATGCTGGAGTCTTGTTAGGATTGTCAAACACCGCCGGCGTGCTCGCTGGTGTCTTTGGTACAGCTGCAAC  
CGGATTCATACTCCAACGAGGCTCGTGGGATGACGTATTCAAGGTGTCAGTTGCATTGTATATCATAGGCACA  
TTAGTCTGGAATATCTTTGCAACGGGAGAAAAAAATTCTTGATTGAATAGGAAGATTTTGTAGATGGGAAAAAG  
AAGGATGCTTTCTCCGCTGATAAACAGAACCGATATTCTGTGGCTAAATTAGTAAATTTAATGGAAGGAAAA  
AGCAGGCAGGCAAGTCTGAACAACAAGAAAAATCCCCAATTTTTCTTTTCCATAAAGTTGCTGATGCCTTAA  
CGACAGCTTCAAAAAAGGGGAGGAAAAAAAACAAAAAAAAGAGAACAAAAACAAAAAAGAGAGAT  
AGATAAAGGAAAAAATCCACGTACAAATTATCCACGCTTCTACTATTGACTGTCCTTGTATATTGAAGTTTTTT  
ATTCCCCTTGAAAGTGTGTCATAAAAACTACACGAGTAGAAGGAAAATTCAATTGTTATTTTGACAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1739 XM\_002864798|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ATCGACGATGGGAAGGCGATCCATAAGGGTTGCACTTCTCGTCTTTTCTTCTTCTTTCTTTGCGACCCACAC  
AGTTTCTTCCACTCTTCTTCAATCATTGAATCAGGGTTCTAATTCTGCCAGTGGAAGTACTCCGAAGCAGG  
ACTGGAACAATGCTCATGAGGTACATTGCTCGAGAGAAAGGAGTAGGGCGGCATGGAAAGTAATTGAGGAG  
TATCTAATGCCCTTCGTGGAAAAAAGAAATACGAGATTTCTACTAAGTGCAGGCTTCACCTTGATAACGACAT  
GTTGAGAGATCAAGAACAGCACAAAGAGCCATCTAGATTTAATGACTGGAAGTGTGGATATTGTAGAAAAAG  
ATTCTACGAAGAAAAGTATATCGATCAGCATTTTGACAATCGACACTATAATTTGCTCAATGTGAGTCGAAATA  
GATGCTTGGCCGATCTCTGTGGTGCATTGCACTGTGACCATGTGATTGATGCAGTATCACAGAAAAGTAAATG  
CAATCCTGCTGCTGCCGAAGAAATAAACATATGTGTGAGGGTCTTGCTGACAGCTGTTTTCTGTGATGAG  
GGAGCTTTGGCCAGCCATCTTCATGAATTCTTCTGCGCCAGTTCTGTGATGCACACACATGTAGCGGAAAGC



CAAAACCTTTCTCCAGAGGTCGACAGGTCGGACGAGTGTGTTCTACATTGTTATTTTCAGTTTTGACAATCCTTT  
TTGTTATGTTTTCTATGTCTTCTTTTACTTGTATAACAGGGGAATGAGAACTCGACCACAGGTGCTGAAGCGT  
CTCTCACAAAGTGGAAGAAAGAAAAACCTTCTTAGATAGAACCTTTTTGCACATTCAATATGTTGATTTATTTT  
CAACATTGTTAAGAGGAAGAGTGAGAGGGCAAAGCTTATTCGTTTACTCGGTTTCCTTTCATCTGTACCTATAG  
AATTCTCAATACAGATTCAAGTCCTAGAGATGAATGGGATCTTGTGTATCATAACATTTGTTTGAGAAATATCA  
ACCATTTTCATCAAGGTTAACTT

>trans\_c\_1740 NM\_001124016|Arabidopsis thaliana PHD finger protein-related (ING2) mRNA,  
complete cds

CTCTAATTTCTTCTCTCTCTCTCATTCTTCATAGACGCTAGCACATTGCCTGCTGAACTTCAGAGGCTACTCA  
ATACAATCAGAGAACTCGATGATCGATCACAGTCCATGATTGACCAGACTCGGCAGCAAACCAAATATTGCTT  
GGGATTGTCGACGCAGAGCTCGAAGAAAGGATATGGTAATAGTAATAATGAGGATGAGGAGTCTGCTTTTGA  
GAACTGCGGAAGGATATTGAGGCTAATCAGGATAACGCGTTGAGTTTGTGTACCGAAAAGGTCTTGTTGGC  
ACGTCAAGCAGGCGACCTGATAGATAGCCATATTAACGACTTGATGAGGATCTAAACAACCTTTCGCGAAGA  
TCTGAAACAAGAGGGGAAAAATTCACCAGACGAACCAGCAATTCTCCACCATTGCCACTAGTTTCGAAGAAT  
GAAAGACGCCGACCAGTATTTATAACACCTCAATCTAAGAGGCCAGATTACAGGGACCGAGATTGGGATAGG  
GAGCGTGATCTAGATTTTGTGCTCATGCCTCCTCCAGGAAGCCATAAAAAAGGACTTTCACCTTCACTCGATGT  
GGATCAGCCCATTGATCCAAATGAACCTACGTATTGCATTTGCCATCAGGTGTCTTTTGGAGATATGATTGCTT  
GTGACAATGAGAATTGCCAAGGAGGTGAATGGTTTCATTATTCGTGCGTTGGACTAACACCAGAAACAAGATT  
TAAAGGAAAGTGGTACTGTCCAACCTGCAGACTTTTACCACCTTCTCAATAACATACGCTTTGTTATCCTTTTGA  
TTTCGACTTTTCTATGAAACCCCAAACAATTGGCTTGTAATTGTATCATGTAAAAAAGGTAGTGAGTAACCT  
ACGTGGACGTAGGTGAATTGGTTGGAACATTGGTTAAAGTATATATTCTCTCAATCAAGCGATCAGAAGCTTG  
AATTTCCCACTTCACACTTGTAGTGTATTTGAATGAATTCTTTTTCATTTGGAAGTAATCATTTAGCTTGAGTAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1741 NM\_001185264|Oryza sativa Japonica Group Os01g0164700 (Os01g0164700)  
mRNA, complete cds

AAGACGAACAGAAGAAGTCCCTCGTTTTGTTCTTCTTGATCTAACGATCATAAACTCAACCAATTGGTTCTTCTA  
GGAACGTTAGCCGATTCAAATGAGTTCGCATCCATTGCAGAAGACCATGTCCCGCGCGAGATCTAGGCGAA  
TTGTACTGCCTCCCGTTCAAGAGCATATTATTAATAAGAGACGTTATCGATACTGGTGACTACTATGGGGCT  
CAACAGATGTACAAATCTGTCAGTGCAAGATACGTGGCTGCAGAAAGGTACTCAGAAGCCTTGATATTCTTC  
AGTCGGGGGCTTGACCCAGTTGAACTTGAGCAGATTACTTGTGGATCAGAGCTTGCTGTGTTATTTGTCGA  
GACACTCGTTAAAGGCAAAGTTCCTTATGATGATAATACTCTTGATCGTGTCAGGAAAATTTACAAGAATTTC  
CTCAGATTCCATTACCTCAACATTTGGGGGAAGATGATGATATGCAACAACCTTCTGAAGCACTTGGTGCTGCA  
AAAACACGGGTAGAAAGGATGTTCTCTTTTTTGAAGCAGCTTTAAAGTGGTCTATGGAGTTTGGATCGCAAA  
GGAGTGGATCTCCGGAATTCATATCATGCTTGCGACATATATATATTCCGAGTCACCAGAAGTGGACATGAC  
CAGAGTATCATATCACTTTGTCCGAGGAGATAACCCCAAGAAATTTGCTTCTACATTAGTGAATTTTATGGGCA  
AGTGTTATCCAGGAGAAGATGACATGGCTATTGCACGGGCAGTTTTAATGTATTTGTCTCTTGTAATCTAAG  
GGATGCTAATGTCCTATTTGATGAGTTAAAGAAGGAAGAAGACGTGAAGAAGTTCGAGCTTCCCGAATCAGA  
CCTGATTGAGTTTATCGTCTATCTTTTGCTAACGTTGCAAAGAGACGCGTTGCCTCTTTTCAATATGCTAAGGGT  
GAATTACAAGTCAAGTTTAGAGAGAGAACCTGCCCTGAATGAGCTTCTCGATGAAATTGCAGAGAAGTTTTAT  
GGAGTACGGCGCAGAAATCCTTTGC

>trans\_c\_1742 CT028217|Poplar cDNA sequences

AGATCATGCACTTATTACAAGGGATTCTGAAAGCCAGAATGTGAGTACTGAGGGGAAGGACGACCAAATGGA  
CGTTCCTTCTTTGTGCAGTACTGAAGAAGCGCCAGAGGGCTCACTTTTATTTCTCCAGCACACGCTCCCAAGA  
AAGCATCCTCATTTCACACGAAGCCGGAACGAGCAAATAAAGGAAGACTTGCTCCTGCAGTAGGGAAATTGG  
CAAAAATTGAGGAAGAAAAGGTTTTCAATGGGAATACTACCAAACCAAATTCCAATGTTATTGAGCCACGTA  
ATCCAACCGCCGTATTTCAGCCAACCTCAAGATTATTAGAGGGACTTCAAAGCTCACTGGCAATTTCAAAGATT  
CTTCTATTTACACGATAAAGGCCAACGAAGCCAGAACAGGAATGCATCTAGAGGGAAACAAAACCTAAGGGG  
GGGGGGCCTGTTGCACACTTGCTCTTAGCCAGGGAATCATCCTCTGCCGATAATTAATGTGACTTTAACAGTA  
GTTTATATTGTTGATTTACTATAGATAAATGTAGGAAAGGAACTCTTGCTTCCTTAGTTATAGTCTACAAGT  
TTAGCTTTAGTTGTTTCAATTAATTGAAGTTCCTCACATTTGTGTTCTCTCAATCTCCTCCTCTACCATAACAGG  
ATGTATATTGAAAACCTCCTTGAGGTTGGTCTTGGAATTCAAAAGAGGTAGTTTGGTTATCCATTTATATC  
ATCTTCCCCACCCCCACATGATCTATATATAATATCACATTAGTGTTGTGTGATTTCAGAATCGAAGCATCTACT  
CCGCTTCGTTCCCTTCGGAGTTAACTCTGACTTTGGTGCATTTAAATTGTTACTGTTACCCTCATTGCCACTGC  
TGAGTACACTGAAGAATGTGGTCAGAAGGCTCAGGTTACTTCCCAAATTTGTTTTATTCAACAATTTGGAA  
CGTAGAGCAATGTTCTTATGTTATGGACACCTTACAAGTAAAGTTTTGCATAAATTGCTATAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1743 FJ126751|Pinus taeda isolate 7735 anonymous locus CL1641Contig1\_05 genomic  
sequence

ATGAATCGAAGTTTCATTTTCTGGAATTGAGAAAACAATAGGAAGAAAAAGAAAAAAAAAAGATTCTGTAC  
GGAAAGCTTTACCGTATCACTAAAAAAGAATCAGATAGCTTTATCAATTAGTTTGAGGAACAAATCCTTCAAA  
ATTCTCTCCACATTTACACTCACAAACACACTTCTTCTTCTTCTTCTTCAATGGCCTTCAAATCATCCTCTGAA  
GTTTTATCCACAGTCATTCCACTGGTAATACTTCCAACAGCTTACGCCATGGAAGAGAAATTGAAGCGCTACC  
GACCCCTTTTCCCACTTTGATTTGGGACCCGTTCCATCGCCTCTAGAAGTTGAAGCTGCAGTTGCTGCTCTTCA  
GAGTTTGTTGCAGGAGTGGTTTTCACTGAATCGATGTCAAATGGCTTCAGCCGCTGATGAAGTCCAGTTCTT  
CAAGCATTTTGCATTCTCGTGGTTATCAATTACTTTGTAAAGGTTTTCAATGGATACTAACAGATCCTACTTTCA  
AGGGACTGGTAATTTCACTGTGTTTGGACAAAGATGTTTGGAAATGCTATTAGAAACCATGGGATTGTAGAGAA  
GCTCCAGGAGTTACCTTCTCAGGTGGAAATGGAAACACTGGGAGCTCAAAACAGGGACCTGACTTTGGTAA  
TGTCATTCTAAGCTGGATTTTGCAAATATCACTCACAAAAATCAGGGAGCTAATAGAAAACTTTGCTCCCTGT  
TGAACAATGCATTTTGTCTTCTGGGAAAGAGAAGCTGAAGCCAGAGAAAAAAGATGAGATAGATGAAAAAA  
TCCAATCATCATTGGTTCTGTCTTGGTCGTCATGTTGATTGTGGTCGTTGCTCGAGTTTCAGATTGCATAAAAT  
GGTAGCTTTGACATCTTCTGACCACGGTTGTACTCATACTTCTATTTAAGCTAAATTGTGTAAAACCTCTTTGCT  
TCTACTTGCAGTATAACTCTCATACAACCTTTGTCATTGTGAATCAACATTACAGTTGTACTTTTTCAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1744 NM\_126650|Arabidopsis thaliana VPS2.1 (VPS2.1) mRNA, complete cds

AGAAGGATTCGGAGAATCCTTTTCCACAACCCACCTTAAGAAATTTTATTCAATCAATTCATACACAAACCAA  
AATTCATTGATCCGATCGTCCCTCTATTGAAATTTTGATTCATTCCTTTCACTTCGGATTTTTTTTTCTACAATTCG  
ATCGCCCGCAATGAGTTTTCTTTCGGCAAGCGCAAGACTCCCGCCGAACTTCTCCGGGAAAATAAGAGGATG  
TTGGACAAATCGATCAGAGAAATCGATAGGGAGAGACAAGGTCTTCAAACACAAGAGAAGAACTCATTGCA  
GAGATTAAGAAAAGTGCCAAGCAAGGGCAAATGGGAGCTGTGAAAGTGATGGCAAAGATCTAGTAAGGAC  
CAGGCACCAGATTGAAAAATTCTACAAGCTTAAATCACAACCTTCAGGGTGTATCTCTTAGAATTCAGACTTTGA  
AACCAACTCAAGCAATGGGAGAAGCAATGAAAGGAGTGACAAAGGCAATGGGACAAATGAATCGACAGATG  
AACTTACCATCCCTGCAGAAGATTATGCAAGAATTTATGAAACAGAATGAAAAAATGGAAGTGTGACTGAAG  
TGATGGAAGATGCCATTGATGATGCTTTGGAAGGAGATGAAGAAGAGGAAGAAACAGAAGAATTGGTCAGC

CAAGTTCTTGATGAGATAGGAATTGACATGAACCAAGAGCTCGTAAATGCACCGTCAACTGCTGTTGCTGCAC  
CAGCGGCAAAGACGAAGGTTGCACAAGCAGAAGCAACGGGGAATGATGATGGTGGGAATTGACAGCGATCTT  
CAAGCCAGGCTAGACAATTTAAGGAGAATGTAAATGTAAGATCTTCATTTCTGTTTTATATCGATACCCCTCC  
ACCTGACTACAGCTAGGAGAGACCATTTATGCCACTGCCATAGACCTAATGCCATGATTTCCAACCTGTTTTG  
GATATATGAAAGAAATGGGAATGATCGATGTCCAAGCATAACTTTCTGACTGTATATACATTATACATATATTG  
GTTTTCTTTTTATATGTTTACAACATGAAA

>trans\_c\_1745 AB294707|Hevea brasiliensis HbHDS mRNA for 4-hydroxy-3-methylbut-2-en-1-yl  
diphosphate synthase, complete cds, note: HbEST\_No.11262

CACAAAGCCCTTGCCTAATGCCATGGTTCTGGTCAATCTGTAGGAGTTATCCTCTGGAGCTCACAACTTTTAC  
CAGACGGCACACGCTTGGTTGTATCGGTACGAGGTGATGAATCATACAATGATCTGGATATCTTGAAAGAGA  
CTGATACAACAATGCTTTTTCATGATTTACCATATTCAGAAGACAAAGTCAGCAGAGTGCATGCTGCAAGGAG  
ATTATTCGAGTATTTATCAGAGAATGGTCTTACTTTCCCTGTGATTCATCACATTCAATTTCCAATGGTGTTC  
CAGAGACGATTTGGTTATTGGTGCCGGTTCCAATGCGGGAGCCCTTTTGGTGGACGGCCTTGGAGATGGTGT  
CCTATTAGAAGCCGCAGATAAAGACTTTGATTTATAAGGAATACGTCCTTCAATTTGCTACAAGGTTGCCGAA  
TGAGGAACACAAAAACCGAGTATGTTTCATGCCCATCTTGTGGAAGAACATTGTTTGACCTTCAAGAAATAAG  
CGCACAAATAAGAGAAAAGACATCACATCTTCTGGAGTTTCCATTGCAATTATGGGTTGCATTGTTAACGGTC  
CTGGAGAGATGGCTGATGCTGATTTTGGATATGTTGGAGGTTCTCCTGGAAAGATCGATCTTTATGTCGGGAA  
GACCGTCGTGAAGCGAGGAATCGCTATGGAGAATGCGACAGAGGCTCTAATCCAGCTAATAAAAGATAACGG  
GCGGTGGGTGCAACCTCCTACAGAAGAGTGAGAAAGAGATGGGCATGAAAAATCTGGTTTGGTTGGTAGGT  
AGGGTAGGAGAAAAGAAAGAGGAGAGAAATGGGNATGAGGGTAGGAGACCACAGCAACACAACACCTTTG  
ATTTGTATTTGTGTTGGTTAAGTAGTGAAATATATATTTGAAGAAAAAAGGGGTATGGAAATTGGGGTAATT  
CATATGTCCATATTCCTCATTGCCAAGTGAAAAAGAATTCCTTCATAATTGGTATGTAACCTCTCTCTTTAACT  
TCCCTCATCAATAATTATCACAGCTATAAT

>trans\_c\_1746 BT010560|Arabidopsis thaliana At5g58020 gene, complete cds

TAACGTTTCGTCGCTGAGGCATTGGGCTTCCACCGTACGTCCGCTCGGTCTGCTCGGCTCCTCCATCAACTTGTA  
AGTCTCAAAGTTCTCGTTCTCGTTCTGGTTTTGTTGAAACCCTATTTATAGATTTGATCGTGATCGCGAAACTC  
TACCCACTGAATTTCTGCATCCTTTTTCGAATCTCGAAACCCTAAGTAATGCATCCGAAGAACCAACACCGTCTT  
CAGATCTTCCTTCATTCTCCAGACCTCCAAATTCAATCCAAAATCGTAGACCTACCACAACTTCGGCCAAAACC  
CTAGAGGACCTGAAGTTCTCTCTCTCTCTGAAACGCTCGCTTCACGGGTTGCATCATCTCTCTACTTTACCCTC  
AATGGGAAACCCCTTCTGGATTCCACTACGATTTCTCTAATTCCTTGTCCACCTTAATCTTAAGAACCAGG  
GTCCTTGGAGGTGGTGGCGATGGCGGTGCAACAGGGGCCGAGTCGCGTGACTGCTACCTTAATATGTACGCA  
GAGAAGAAACCCGATAAGGTCGATCCTAACGAGCAGAGGCTGTCCAAGTGGTTGAATTGCGCTCTTTCTAAC  
GAGCCTTTGAGTGAACCTTGTGTGATTGATTGGCTTGAAATGTCTTCAATAAGGAATCACTTGTGCAGGCTTT  
GCTAGAGAAGAAGTTGCCAAAAGGATTCGGGCATATCAAGGGTCTGAAGGATATGATCAAGATAAATTTTTC  
GATGATTCCCGGTACAGAATCGCGTGGGAATGCAATTCAGAGCCACGGTCCAATGCCCAATTACTGGTCTT  
GAGTTCAATGGTAAGTACAAGTTTTTTTGCTCTGAGAACTTGTGGACATGTGTTGAGTGCAAAGGCCTTGAAA  
GAGGTCAAATCTTCTTCTGCCCTGTATGTCATACTGAGTTTACGGAAAGAGATAAATTTGTGATCAATGGGA  
GCGAGGAGGAGGTAGAAGAAATGAGGGAGAGAATGGAGGAAGAGAAGTCGAAATCGAAATCGAAGGAGA  
AGAAGACAAAGAAAGTGAGGAATGG

>trans\_c\_1747 NM\_001125406|Arabidopsis thaliana RRP41; 3'-5'-exoribonuclease/ RNA binding  
(RRP41) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1748 NM\_001049451|Oryza sativa Japonica Group Os01g0328500 (Os01g0328500)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_1749 NM\_114475|Arabidopsis thaliana ATRAB8A; GTP binding (ATRA8A) mRNA, complete cds

[illegible]

>trans\_c\_1750 AY453393|Glycine max ribosomal protein S13 (RPS13) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1751 NM\_001056130|Oryza sativa Japonica Group Os03g0255500 (Os03g0255500)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_1752 AJ580839|Nicotiana benthamiana mRNA for SUMO E2 conjugating enzyme SCE1 (sce1 gene)

ACATAATCTTGACAATTTTATGCTCCATTCTTCCAATCTCAGCCGTACGTTTCATTCAAACCTCCAATTCTCCCCCA  
CTGCGCCTTCCACTACCTTTTTCTTTCTATTAAGTGTCTCACAACTCACCTCCTCTCTGTTTCTGTCTGCG  
GTAGGATCGCCGACTCCGGATTTACATTTAGGGGTGCAAGATTTGTTCTGGGGTTTCTTAATTTCTTTATAT  
ATATACACACACAATCATGTCCGGGGGTATTGCACGCGTCTGTTGCGGAGGAGCGGAAGTCATGGCGAAA  
GAATCATCCCCATGGTTTTGTTGCGAAACCGGAGACGATGCCTGATGGGACTGTGAATTTGATGATTTGGCAT  
TGCATTATTCCTGGGAAAGTTGGGACAGACTGGGAGGGTGGTTTCTTCCCCCTTAACTCAATTCAGTGAGG  
ACTACCCAAGTAAGCCACCAAAGTGTAGATTTCTCAGGGCTTCTTCCATCCTAACGTGTACCCATCAGGAACA  
GTCTGTCTATCGATTCTCAATGAAGATAGTGGGTGGAGACCAGCCATAACAGTTAAACAAATTCTTGTTGGAA  
TCCAGGATTTGCTGGATCAACCAAACCGGCTGATCCTGCTCAGACAGAGGGGTATCATCTCTTCATCCAGGA  
TGCCGTTGAGTACAAGAAGAGGGTTCGCCAACAAGCCAAGCAGTATCCACCTTTGGTGTAAGCTGATTGGGT  
CCATTATACTTCTTGATACTATGATGATATTAGCAGCCAGTTGCCACTGATTGAATCAACATTTAAACTGACT  
CGTTTTATAGATCGTTGGTATGTGGTGCACATTTCAATTGTCATGATAATCTCTGAACTTTAGTGTTCCCA  
TATGGACCAACTTATGTGACATTTATATCGGTAGACATGTCAAGCCTGGTGTGCATTGTGTTTCATATTGTGA  
ACTTGTGGTTTCTTGCTCTAAAAAGTGTATGAAAGAAAAAGGTTTTTCCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1753 AF204676|Arabidopsis thaliana cultivar Columbia guanylate kinase (GK-2) mRNA,  
complete cds

AGAGAAGGAATTGCGATTAAACATCAGCTTAAGCATCCCGCAAGAAAACGAAAGCCGGTCTTGATCGCTGTTT  
CGAGAATTGAATGCGGCCAAAACCCACACCCCTTTTTCTCTCTATTTCTCTCTATTTTCTCAATCTCTCTTTT  
CCTACAAATACCAGAAATGATCTTCAATCTTTCCTTGCCTCTCTCTCTCCATTTTTTCGATTCTCCGTTTCTT  
CCATTCCATAGATTCCACCTACAATTTTCTTAAACCCTTTCAACAATCCGCCAACTGGGTTGTGCTTCTTCGACC  
TTACAACACCCCTTTTTCTCAGAAATCTCTCCAGGGTAATCTAGAAGTTGGAGGATTAAATTTCTCCATGGGAGA  
AGCCCCAGCTTCTTCTGCTCATGATTTGAAGGAGGGATTTCTGAATGGATTGCGTTTAAATCCAAAGTTGC  
GAAACAGCCACTGTCATCGGCAATAAAACATATCTGGTTGATGGAGTTGTGACGAATTGCTGTTGTCCTTTA  
AAGTTCAAATATTTGATCATTCCCAAGGAACGCCGATCAATCCAGTTGTTTTGGGAACAATACCGAACTCATGT  
AAAGGCCATTCGGCAATAGCTTTAAATGAAGATCGCATATTATTTATTAAGGGTGGATCCCCCTTAGATGACG  
CTTTTTGGTTTCTTGAGGTGGATACCCCATATGTTCAAGAACAAGAAAATCTTGGGTTGTGAAGTTGTGCT  
TGGAGTAAAGGTGTGAGAGGAACTGTTGAGAAGCCGGTCTGTTGTTAGTGGTCTTCTGGAGTGGGCAAGGG  
TACTCTTATATCAATGCTCATGAAAGAATTTCCAACCTATTTGGATTCTCTGTTAGTCACACAACCCGTGCTCC  
GAGGAACATGGAGAAAGATGGCCTCCATTACATTTTACAGAACGAAGTGTATGGAAAAGGACATAAAAGA  
GGGGAAATTTCTTGAGTTTGCTTCAGTTCATGGAAACCTCTATGGAAGTGTGAGGCAGTTGAAGTGTA  
GCATATGCAGGAAAA

>trans\_c\_1754 AF047173|Vernicia fordii aquaporin mRNA, complete cds

AAAGAGTTCGTAAGGATCAAAAGATCAAGAAATATATATGGCGTGGTTACCATTTGGAAGCTTTCAAGATTCC  
TTGAGCTTGCCTCTTTTAAAGCTTATCTTGCTGAGTTCATCTCCACCTTACTCTTCGTTTTCGCCGGTGTGCGCT  
CCGCCATTGCATATAATAAAATAACATCATCTGGAGCTTTAGATCCAGCAGGGCTGGTTGGGGTGGCAGTTTG  
CCATGGATTTGCTCTGTTTGTGCGGTCTCCATCGGAGCTAACATCTCCGGTGGCCACGTGAACCCAGCGGTG  
ACATTCGGGCTTCTTCTGGAGATCAAATCAGCCTAATTACCACCTTTCTACTGGATTGCTCAGCTTCTTGGC  
TCCATTGTCGCTGCTACCTTCTCAAATATGTCACTGGCGCCTCGCGTTCCGGTCCACAGCGTCGCCGCCGG  
CATCGGAGCGGCGGAAGGGGTAGTGACGGAGATTGTCACCACCTTCGGTTTGGTTTAACTGTCTATGCGAC  
GGCGGCAGACCCAAAGAAGGGATCTTTGGGCACAATTGCGCCGATTGCCATTGGTTTAACTGTGCGAGCAAA  
CATCTTGGCAGCCGGACCGTTTTCCGGTGGATCGATGAACCCGGCCGATCTTTCGGCCCGCGGTTGTCACT

GGCGACTTTCACGATAACTGGATTACTGGGTTGGGCCGCTCGTTGGCGGTGGCTTAGCTGGGCTTATCTACT  
TTTACGCCTTTATGGCTTATGGGCCCAGCCCAATTCCAAACGATTCTAAGGCCCAATCAAATTAACCCATTTT  
ATTCTCCTTTTGCTCTGTTCCCTTTGCAATAAGAGGAGGAAAAAGCAAGTTTTTTGCCTTTCTCCTTTCCATTTT  
CTCCCTTTTGGTGTTTTGTTTTAATGTCCTTAATTTATTTGAATGCATGGTTTGGTTCATTGGATTCTCTTCTCA  
TTCTATTTCAATGTAATAACTCATTTATTGTGTAATGTTTATATTATCTATTAATTCTAACAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1755 FR682666|Carica papaya mRNA for tubby structurally-related protein (ORF1 gene)

ATTGGCACACAGATTATATATAGCATATACTGCACAGCTATCCAATTACTCGTCTTCGATATTACCAACCCAAA  
ATCCCAACATCCCCTCGTTTCCTCATCTTAACCTTAATTTCTTCCCATCTCCAATCAAATTTATCCAATTAATGGCC  
TATCCGCCGCGTTCAGCTACCCGCACAGACCGTGTCCGCCCCCTTGCCCAATCCCGTGGCGGTGTTAGGCC  
CTCAGTTTATCGCTCCTTATCCCGTGGATCTGAGAATCACGAAGAAGCTGATGACCCTGGCGGAAGGTTCTTC  
GCGGTTACGGACATTAACGGCACCCCTGATGTTCAAGGTGAAAGGGTCGGTGTTACGCCTCCGCGATCGCCGC  
GTTCTTCTTGACGCCGCTGGGAACCCATAATCACTTTTATGCAGAAGCTGATTTACGCGCATAGAACATGGTA  
CGCGTATAGAGGGGAGAGCACGGATTCACAAGATCTGTTATTCACGGTGAAGAAATCGTCGATTTTACAATTC  
AAGACACAATTAGATGTGATATTAGCCACAAACAGCTCGGGTAGCGGGTGCGATTTAAGATAAAAGGAAGC  
CTGCTGGAGAGAGCTTGCACTATTTATCTTGGGGATGGCTCCTTCGTCATCGCTCAGATGCACAAGGAACACA  
CTTTACAGAGCATTGTGTTGGATAAGGACACGTTTGGAGTGCTGGTTTATCCGAACGTGGATTTTGCGTTCATC  
GTTGCACTTGTGGTCATTCTCTTCGAGATCAACGAGGACAGGAGCGGCGATGATTAGATGAAAACAACCACCC  
CGGCCCTTTTATATATATATTATTATTATTGTTCTAATTTCCCATCTACTTCTACATTTGTGCACAATTAGACA  
TGGAGCCTTGTTATTTGTTTGACCTGCTTTTGGTGCTTCATGGGTTGGGTTGTTAAAGCTACATGATTTTTTC  
TCTCCTAATTCTGTGTTTCGTTATCAAAAAATATATATTTCTTCTGTACATACCTTCGACAAAAAATATATGAAAC  
TTTTTGATTTT

>trans\_c\_1756 NM\_001069007|Oryza sativa Japonica Group Os08g0556000 (Os08g0556000)  
mRNA, complete cds

CAATTTTGTGGTGTAGCTGAAATGGTTCGGACCCGTTGACTTCGAGAAAAATGCAGATTACTGGCAGCAGGAT  
AGGTGGAGTGGACAATTTCTGTTAAGTGGCATATCATCAAAGATGTTCTAATATTAGATTTTCGGCATGTTTT  
ACTTGAAAATAATGACAACAAACCTGTTACGCACAGCAGGGATTCTCAGGAGGTGCCACTGAAACAAGGTATT  
GAGATGTTGAAAATTTCAAGGACCATGATCCTCGAACATCAATTATAGATGATTTTGATTTCTATGATGAGCG  
GGAGAGGATTTTGAAAGAACGGAAACAAGACAGCAGCTATTTGCAACTGCAAATTCTCTAAATTCATTGGT  
GATGGCTCCATTAGCCCAATCTCTGATCAGTTTGCTCAATCCCTTCGACTTGAAGATAATAAAGAAAGAAAA  
ACCAGAAATGGAAGAGGGTGCAACGTCTAGAATAGATGCTTCAGTTTCACTTGATGATCCGGTAAAGTAAAG  
TTCTGAGGCTTTTTTTTTGAGTCTTGAAGTTGAGAGACTAAGTATTAAGAATGTCCAAGCATCTGAAGGTGGAT  
ACGGTTAGCAATTCCGTTAGATTGGACTTCTTTGATTCCTTCAAGCATTTAGATGAACGAGTTTGATAGGTATT  
TCACATCATGAGACACCCCTTGACTGATTTTCTGTTCTCCAATAGATGATAACACCTGAGGCAGTATTTTGG  
AAATCTATAGCAGTGAAGATGATATCTGACGCTTTTTTTTACCATTTTTTCATGTTCAATTGCCCAAAGCAGCTG  
GAGGAAAATTGACTTGCACTTGGCAAGAAGCTTTTTCTGATTAAATATTGCTTAATTTGCATTGAATTTTCATT  
TCCTCTGGAGGGTGTTGATGGCATTCTCGAGTGGAAGGATTTTGCTGAAGGGGGCTGGATTAGTTGGGGTG  
GGGTTTTACGTAGCAAGTGTGCAATAGAATATGTTTGCATTTCTTATCGATAGCCAGTTTCTGGGTATTTATG  
AAGTTGCCCATTTTGTGAA

>trans\_c\_1757 AF041463|Manihot esculenta elongation factor 1-alpha (MeEF1) gene, complete cds

GGAAAGACCAACCCTTCTTGAGGCCCTCGACCTGATCCAAGAGCCCAAGAGACCATCTGACAAACCCCTTCGT  
CTCCCACTTCAGGATGTCTACAAGATTGGAGGTATTGGAAGTGTTCAGTGGGTCGTGTTGAAACTGGCATT  
TAAACCTGGTATGGTGGTAACCTTTGCTCCAAGTGGAGTACTGAAAGTTAAGTCTGTGGAGATGCACCA  
TGAAGCTCTCCAAGAAGCTCTCCCTGGTGACAACGTGGGGTTCAACGTGAAGAATGTTGCCGTGAAGGATCTC  
AAGCGTGGTTATGTTGCCTCAAATCCAAGGATGATCCTGCCAAGGAAGCTGCCAATTTCACTTCCCAAGTTAT  
CATCATGAACCATCCAGGACAGATTGGAAATGGTTATGCACCTGTCCTCGATTGCCACACATCTCACATTGCTG  
TCAAATTTGCCGAGATTTTAACCAAGATTGACAGGCGATCTGGAAAAGAACTGGAGAAAGAGCCCAAGTTTT  
GAAGAACGGAGATGCTGGATTGTAAAGATGATCCCAACCAACCCATGGTGGTGGAAACATTCTCCGAGTAT  
CCCCCACTTGGACGATTTGCCGTGAGGGACATGCGTCAAAGTGTGGCTGTTGGTGTATCAAGGCCGTGAGA  
AGAAGGATGCATCCGGTGCCAAGGTCACCAATCAGCAGCTAAGAAATCAGGCAAGTGAATGGTGCGAGTA  
GCCGTTGGCGGCCAACGGCTTGATGTTAATCATCATGATGACTGGAATCTTATTAATATGTTCTGTGGTTGTTG  
GGTAGTGTGTTGTTGTCTGGTTGGTCATGTCTTCAAGTTTCTCCATGGTCTGTGAGTAGCTTTTCGAGA  
ATTGGGTGCTTGATCGGCGGTGGCAAGTCTTTCATTTTTATCTTTGAGAGTTCTATGTTTTATGGCTATTTTATT  
TCAAACAACCTGTTATGTGTTTCGTATTTCTTGCTTAATTAACATGGATCGTTTTTGTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1758 NM\_127659|Arabidopsis thaliana PSB29 (PSB29) mRNA, complete cds

TTCTTTTTTTCTCCCTCTCTTCTCGATATGAAATCCAGTTTCTCCAAAAATCCTAAGCTTCGCAGATTTTCC  
TCATTCCTATTCAATGGCGGCTGTTAATTCCATTTCACTCAACACTAAACCAATGTTCCGATAGGAGATTCCC  
GGTTCGGTCTCTCGTTCCCTTCTCCAATTCGACGGCTTCCGTTTTCGTACGAGCCTTTACCCATTATTCC  
CGAGTTCGACCATCCACCTTCAGTTCTCGCATGGTCATTTCATTCATGTCGCGCCGGAACAGATGTGACCACTGT  
GGCCGAGACAAAATTGAACTTCTCAAGGCCTATAAACGGCCTATCCCTAGTATTTACAACACGATTCTACAAG  
AATTGATTGTTTCAAGCAGCATTTGATGAGGTATAAGAGGACATACCGTTATGATCCTGTTTTCGCTCTTGGATT  
GTTACTGTATATGATCAGCTTATGGAAGGGTACCCTAGCGATGAGGATCGTGAAGCCATCTTTCAAGCGTACA  
GTAAGGCATTGAATGAGGATCCAGAGCAATATAGAATTGATGCTCAAAAATTGGAAGAGTGGGTTTCGATCTC  
AGACTGCAGCTTCATTGGTTGAGTTTGCATCAAGAGAAGGAGAAGTTGAGAGTATTTGAAGGACATTGCAG  
AACGAGCAGGGAGCAAGGGGAATTTCAAGTTACAGCCGATTTTTTGTCTATTGGACTATTTCTGTTCTTGAATT  
GGCAAATGCTACTGAGCCAGTATCTTGAAAAGCTCTGTGCCGCTCTAAACATCGACAAAAAGGTGTAGAC  
CGAGACCTTGATGTATACCGCAACCTGCTTCAAAGTTGGTTCAGGCAAAAGAGCTCTAAAGGAATACATCG  
ACAGAGAGAAGAAGAAAAGAGATGAGAGGGCTGGATCACAGACAGCTAATGAGGCAATAACTAAATGCTTG  
GGAGAATACAGCATGCAGACCGGTTTATAAGAGGTAATTGCAGACGCTACCTAATTTGAAATAAACTTGAG  
AGTTTATTAGCAATATTA

>trans\_c\_1759 XM\_002892268|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleotide binding protein, mRNA

ACGATTTTTCTCTCTCGTCCTCCCCGATTCTGCTCTCCCTTCACCGCCAATATCGAAGTTTTCAAGCGTCGATCACC  
CCTTTCTCCGCCGCTGTCATAGTTGTTTCGATCTCCCTCCGTCAAGTGAAGATGCGCATAATCTAGGCCAGAACT  
CACGGATACCAAATGATCTGAATGCTTGTGTTCTTCATGATCTCTTATTAGAGATGGGATCGGCGAAGGAT  
GAGCAATTTTCCATGTTTGAGGAGAAGGTAAACGGACTGTGTATGTTGATAATCTCTCTCTCAAGTAACTG  
AGCCTGTTTTGAGAACTGCTTTAGATCAGTTTGGGACTGTGGTCAATGTCCATTTTATCCAAATTACACGGAG  
CCAATTAATAGCTCTCAATGTGCTCTAGTGGAGATGAAGGATTCGAAGGAGGCGAAATCTGTGATCGCCGTTA  
TAGCTCAATTCCTTTTCATGATGTCTGGAATGCCGAGACCGGTGAAGGCTCGCCCTGCCGAAGCAGAAATGTT  
TGATGATCGTCCTGTAAAGCCTGGTAGGAAGATTAGCTTTAGATGGCTGGAAAGTGATGATCCTGATTTTGAA  
GTGGCCAGACAAATCAAGCGTCTTACGAAGAAACATGTGGCTGAAGCTGCATTTTTGCTCAAGCAACATTTGG  
CGGAAGAGGAAAAGCTTGCAAAGCAGCAACAAGAAACGCTGAGAGGAACTACAAGAAATATGAGATTGTA



GATAGTGTAAATGGCCGATGGAAGTGGCCGAGGTTAGCAAAAAATTATAATATGCGAGTTTCAGATGATTAAT  
GCCTTTGAAGCCTTGCTTTTGTAACTCTTAATGCCACTGATTTTTACCTGTAAATTTGTACAAATTGTCATTTAT  
ATGGCTGAATAGAGATGAATTAGAGACTTCTTTGTGATTTAGATTTAGAGGGAGAAAAACAAATATTTAGT  
ATACTACTCTAACACACTCTTGGCATTGTGTTTTAAAAGGAAAAACATTGTATTTTCCCCCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1760 NM\_001069008|Oryza sativa Japonica Group Os08g0556200 (Os08g0556200)  
mRNA, complete cds

ATTCATTCTCGTTCTGCGTGCGACCTCATCTCTCTCACTTATCTTCTTCTCCTTCACGATACCTATCCGCCGCC  
CTACAGTCTTGTCCCGTTACCTCCCACCATCGTCCCGCCGTGAGCTTCTTCTTCTCCGTGCACCGTCCGAAG  
AAACCTAGAGGAGTCCGAGCCGCATCCAGCGAAGCCTTCTGCTGGTTGCGAGCCGGTGTTCTCCATCCACC  
GTCTGTGCTCTGTCCGTGCAACTCCAAGCGCAGCCGCTCGCCGTGCTGACCCATTTAAGCTCTTGGTGCTA  
TTGGAGGAGTAGCACTTGAGTTCCTGGAGTTTTGGAGTGGGGTTAAGTCTCTAGTGATTGGTGTTATATGG  
CTGATGATAAAGTTGACATTATTAGGCCCTTAGTAGAAGCAAGTACAAACAGTTTAAAGATAGAAAAAGCGGA  
TAGACTCATATTAAGGGGTTTAAAGTGTCACGGTTATCATGGAGTACATCTTCAAGAAAAGGAAACGGGACA  
AACTTTTTTGGTGGATGTGGATGCTTGGTTGGATCTCCGGGCAGCTGGAAAATCTGACGACTTGAGTGATACT  
GTAAGCTACACAGCAATTTATCGCATAGCAAAGGAAGTTATGACTGGACCATCACATGATCTTCTGGAATCAA  
CTGCGGAGGAAATTTCTTCAAAAATTATGATTCATTACGACCGAGTAACTGCAGTTAGAGTAAAAGTTGCTAA  
GCCGGATGGTTGTTGTTGGTGGGCCATTGACTACGTAGGTGTTGAAATTTTGAAGTAGAGATAGAGATAT  
GTCAATTTAACGATCTGGGTGGTTCAAGCTATTGCTGTACTTGCTTAATGTTTTGAAAAAGCATGTGTAAAAAG  
TTGACATAACGTTAGTTTGTATCTTTAGCTCTTGATGTCTGGAAGTATTTTAAATTGGGGTCTTTATTACC  
TAAAAGAAGATTTGTAATAAATTATCATTGATCATTGAACTTTACAATAGGTTTTGCCTAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1761 AY074575|Arabidopsis thaliana

CTTTTTTTCGTCTATGCATCATGCAAAAAATTGTGGAAGTATATTTTCGTGGCCCTGTGAACCCGATTGTTCCCAA  
CTGGTACCACCTTCCAATTGCATATCATGGACGTGCATCATCTATTGTCATCTCCGGGACAGAAATTGTTTCGAC  
CCCGTGGCCAGAGTAGACCAGTCGGAGACTCTCCACCACCTTTGGCCCTTCTGCTAAGTTGGATTATGAGCT  
GGAAATGGCTGCTGTTGTTGGTACTGGAAATCTGTTGGGAAAGCCTGTAGACATAAATGAAGCAGAAGATCA  
TATTTTTGGCCTGGTGCTGATGAATGATTGGAGTGCTAGAGATATTCAGGCATGGGAATATGTTCTCTAGGA  
CCCTTTCTTGGGAAGAGTTTTGGTACTACTATATCCCCATGGATTGTTACACTAGAAGCCTTAGAGCCTTTCAA  
ATGTGATGCTCCAAAGCAGGACCCAGCTCCATTGCCATATCTACCGAAAAGGAATCCAAGAACTATGACATC  
TCACTAGAGGTTCGAATTCGACCTGATGGTGAAAGCGATGCACACATTGTGTCAAAAAGTAATTTTAAGCATT  
TATATTGGACGCTGCCTCAACAGCTCGCACACCATACTGGAAATGGCTGCAACTTGACGCCAGGTGATCTCTT  
GGGCACTGGCACCATAAGTGGACCTGAACCAGAATCTCTTGGGTGCTTGCTGGAATTAACATGGAATGGGGA  
AAAACCATTTGGAGTTAACAATGGGATACAACGTAAATTTCTTGAAGATGGAGATGAAGTTGTTTTCACTGGT  
CAATGCAAGGGAGATGGTTACACCGTTGGGTTTGGGACATGCGCCGAAAGATTTTACCTTCACCTCAAGAA  
ACAAATTTGATTCCATTACGAGTCTTAGATCTCTGAATGTTTAGATTTTTTTTTCTTCTTTCTTGTAAATAAATT  
TGTATAAAGGCTGTAGCAAGCGGGAATCAACTTGATCATGATTGAATGAATATTACTTTTGCCGTTCTTCGGGT  
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1762 AF112440|Pisum sativum ribosomal protein S26 (RPS26) mRNA, complete cds

AATTCAGCCGACGAGCTCTCTCATTCTCTCCGGTTCGCTCCTCCATCTGATACAAGTGAACCATGACTTTCAAG  
CGCAGGAATGGTGGACGCAACAAGCATGGACGCGGCCACGTGAAATTCATCCGCTGTTCCAAGTGCAGCAAA

TGCTGCCCTAAGGATAAGGCAATCAAGAGGTTCTTGTCAGGAACATTGTGGAGCAGGCAGCTGTTAGGGAT  
GTTTCAGGAAGCCTGTGTTTATGATCAATACACTCTTCCTAAGCTTTATGCCAAGATGCAGTACTGTGTTTCTGT  
GCTATCACTCTCACGTTGTGAGGGTTCGATCGCGCACTGACCGGAGGAACCGTGAGCCTCCACAGCGCTTCA  
TTAGACGCAGGGACGATGCACCAAAGCCTGGACAGCCAGGACAGAACCCTCGTGTTGGAGCTGGTGGAGCT  
CCACCCCGTGCTTGAAAGAACCCTTTATAAGCTATTTAATTTTCTCATGGTTTCTCAGATTTTGTGGACTTCATT  
TTATTTAGGATTCTTCACTATATTTTGAGGGCTTTGTTTTGAGTATCGAATTATGCTGTACTTCTGAAATCTGAT  
CAATTTTTGATTTAACAGGTTCTCTACTTGAATATTTTTATTGTTTTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTTCAAACCCCCCCCCCGGGGGGGGGCC  
CGGCCCCCATTTCCCCCTAAAGGGGGCCAAAAACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAAACCCGGGGGGGG  
GAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTTAATCCCTTTGGACAACCCCCCTTTTCCCGGGGGGGGAAAAAAAAAA  
AAGGCCCCCCCCCTATCCCCCTTCCAAAATTTGCCACCCTGAAGGGGAAAGGGGACCCCCCTGGAGGGGCC  
CATTAACCCGGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_1763 AY042895|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g35790) mRNA, complete cds

AGTTTGGAAGTAGAGCAAGGGAAGAGTTTTGCTTCTGGAGAATGACGAGGGCCGCTCTCTTCATTTGCTAC  
GATCACAATCCAAACATATCTCGGAAGAAATTACTATTAGGTTATCATCTCCAACGATCAACAGCATGGATC  
AATGAAAAATTTGTACCCACTAGCAACTTTCTTTCGCAGAAAAATGCAGTCCAGAAGAGATGGGCATCTCAAG  
CTCCAACAAGAGAAGATGATGGCAAGATCAGCATTGGACCTGAAAGAGGATCCGAGGAAGATGAAAAAGAT  
GTTGCTTATATTGGGCCAATCTCGTCGACCATCAAGAAAGTCAAGCTTCTATCTTTATCTACATGCTGCCTCTCT  
GTATCACTCGGACCAGTCATAACCTTCATGACGTCCCCTGACATGAATGTGATTCTGAAAGGTGTTGTTGCATC  
ATCTGTGATATTCTCAGTGCTACTACTACTGGAGCACTTCACTGGTTCGTGAGCCCTTATGTTCATAAAATTAG  
ATGGAAACCAGGTTTCAAGACAGTTTTGAGGTTGAGGTTATGTCTGGCTGGCAACTTACATTCCACGAACCATT  
CGATTTGCTGATATTGACACCCGAAACAAACCGTCCCTTTGTGACCTTCAAGGCTAATGGGAACTTCTACTT  
TGTAACAAAGAGCACTGTCATAATAAGGCACTCTTAGCCAGACTGACTCCTCAGCAACGTGAATCGGCTTTT  
AGAACTTATGATTGTCTTGAGATTTTTCTTTTCTTCATTGAGTTGAAGGCCAATGAGATGGCTGAACTGTT  
GTCATAAATCATGTATACTTTACCATAGACAAATTGCTGCTCATTGTACCGTTTATAGTCAATTTTGGCAGAATA  
TGGTCTTTTTTAAACACAATTCATGTGTACAACCTTTGATACTGATAGATGATAGAACCATATATTACGTGGTT  
TGGAATTTTAAAAATAGTTTCTATTAACATTTTCTTATGTATTTTGAAGATACTCATATAGTATAACCTTTCA  
TAAATTTTTTT

>trans\_c\_1764 AY059938|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T16K5.7) mRNA, complete cds

ACACACAATAATAATACCCAAAATTTAATTTTCAGATCCAAGATCTGGACTTTCACACGCTAAGTGCTGCTAC  
TTTCTTTATTGCTTCTGTAATGATTGAGAATCATATTCTTTGATCTATTAATCATGCAACGGAGGCAACCTAC  
TTCCACGCGTCGCAATGGAAGCTTTCATTCTGCTGGGGCCCTGAATGCGAAATCAAATCATCACCTTGTAT  
CTATATGCTTGGTCTTGTGGGAGCAGTTCTTCTACTTGTCTATGCTTTTGTAGTGACCAGGTTTATTTGGAGGC  
ACCAAGATAGTCAGCAAGATTGAAGGTGATTTTTCATGCACATTGGAGTTGCAAAGAGCAGTAACCATCTTAA  
AGAAAGCGTTTGGCAATAGCATGCGCAAAGTTTTGCATGTAGGTCCCGATACCTGCTCTGTGGTATCTAAGCT  
ATTGAAAGAAGGTGAAACAGAAGCATGGGGCATAGAACCATATGACATAGAAGATGCTGATGGAACTGCA  
AATCACTTGTGAACAAAGGCATTGTACGTGTTGCAGATATCAAATTCCTCTACCCTATAGGGCAAAGTCATTT  
TCCCACGTTATTGTGTGATGATTGGATTATCTATCCCCCAAATACCTGAACAAAACCTTCCAGAATTCGCA  
AGGGTTTCTTCTGATGGTCTTGTATATTTACCGGTTCCCCTGGTCAGCAGAAAGCAAAAGTAAACGAGTTATC  
AAAGTTTGGACGACCGGCCAAAATGCGAAGCTCGTCTTGGTGGATTGATTTTTTGTCCAAACAAGCTTAGAA  
GAAGACGAAGCTGCTGCCAAGAAATTTAAGCAAGCAGCATCCAAGCAGTCTTACAAGCCCGGCTGCCAAGTT

TTCCATCTCAATTCATACCATTGATATCATGAAATCAAAGATATGAAATTCCTTTCTTACCCTCATTTTTTGGTC  
TCCTTTTCGTCTCATTTCTTATNGTATTAACAAACATAAGAGAAGCTAGGGAGGTGGAGAATCCGCAGTTGATG  
TACGCTTTTTGTTTT

>trans\_c\_1765 AJ308489|Medicago truncatula mRNA for allene oxide cyclase (aoc gene)

TTTTTTTTTTCTTGTTCTTCACCGATTTCTCTCTGCTGACTTTGGTTTGAAGCTCTCAGCCACCTCCATTAATGGC  
GTCCTTCTTCAGTTCTTGACATCAATTTCTCCCTGAAAATACCCACCTCTCCTCTGTCTCTCAAACCCAAACT  
CTTTTGCCTTTAAATCTCTCACTATCACAATCTCTCTCTTCTCCGACATTACGATCTTCATCATCCGTCTCAATTAC  
CTCCAACAACCTCCACAATCACATCACTTCTCTTCAAAAAATCCAAACCCAACTCAGATCCTCCCAAATCCGCAAA  
AGTACAGGAACTGTTCTGTACGAGATAAACGAGCGAGACAGGGGAAGCCCAGCATTCTAAAACTAAGCAA  
GAAGGCTGAGAATTCAGTGGGGGATTTGGTTCCATTGAGCAACAAGCTCTACTCCGGCGACCTTCAGAAGCG  
GCTGGGCATAACGGCCGGCCTCTGCGTCTAATTGAGCATTTGCCGAAAAGAAAGGGGACCGCTACGAGGC  
CATCTACAGCTTCTACTTCGGCGATTACGGCCACATAGCCGTCCAAGGTGCCTACTTGACTTATCAAGACACCT  
ACTTAGCCGTCAACGGCGGCAGTGGCATCTTTGAAGGCGTTTCCGGCCAGGTCAAGTTGAGCAGATCGTTTT  
CCCTTTTAAGCTGTTTTACACCTTTTATTTGAAGGGGATTGCGGGTTTGCCGGCTGAGTTGTTGGGGAAGCCTG  
TTCCGCCGTCTCCACCGTCGAGCCGGCTCTGCGGCCAAGGCTTGAGACTCTCCCCCGCTATTTCTAACTTTA  
CCGATTGAGGCTTTTAAATCCGAAATGCAGGTTTTAAATAATATATAGTTGGTTGTTAGTTTAAATTTGGTTTT  
TGAGAAAGCTAGCGTTAAACGATGTAATATGAAGAGAAGTTTGTGTTTTGTAATAGTTTTCATTTTCTTTTTCC  
GGATTACTTAGTGAAAAATTTGTTTCGATAAAAAATTGTATGGAAAGTATATTAATATTTTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1766 AB107689|Nicotiana tabacum AGP1 mRNA for AG-motif binding protein-1, complete  
cds

TGCACGCAGCAAACGCCCTCGCCCTGCAACCTTCAATCCCCGGCCCCCAATTCAGCTTATTTCCCCTGCTTCCTC  
TGTCACCGAAACAACCAACCCCTGATCAAACATTGCAGCTTGTTCCAAAGGCCCATCAGACACCGAGAACTTC  
GCCGAGTCCCGCCTTCGGTCAAATTGCCAAAGCATGGTGCTGCTGCCTCAGCAACACAGAAGATTAAGAAC  
AAGAAAATCAAGTTGTCTTTTTCGCTTGCCCCCATTAGAGGCAGGAGCGGGAAACCAAACTTGCCATCGT  
CGCAATCGGTAAGAAAATGTATGCATTGTGAGATAACCAAACTCCACAATGGCGGGCAGGACCAATGGGGC  
CAAAAACGCTTTGCAATGCCTGTGGTGTTGCGGTATAAGTCTGGTAGACTCTTCCCGAGTACCGACCAGCAGC  
GAGTCCAACGTTTCATACCATTGCACTCGAATTTCCACAAAAAGGTGCTTGAAATGAGAAACAAGACTGAC  
GAGAATACAGCTGCAATCACCATAAGCGTGCAACCGGAGCTGATTCAAACCCAAACAGCGCAATTTCAATGG  
ATTACATGTGAAGAAGAAGAAAGAGGTTGATGTGTGTGTGGTTGGTTTGTGTTAGTATGAAATAGTTCTTA  
GGTGGTTGTCTTTCTTGACAGGGGAAGGTGGGGGCAACTTGGGAAAGGTTTTAGGTTTTTTTTTTATTTTATT  
TTTAATTAGATGAGAAAGTAGTTGAGGAAGAAGAAAAACAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAACTGATCGTAT  
GGACTTAAGAGACATCAAACTTTTAAGCTTAGGTGAAGTTTTAGTGTTGTTTGGTGCTCATTTGTCCGTCA  
TCGTATGTTGCTCTCTTCTCTCTTTTGCATTCTTTTTCATTTCTTGGAATTTCTTTTGCAGTTCAATTTGTAG  
TCATCATCAAAATTCTGAGCTTTTAAGTAATGAAATTTAGGTTATTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1767 BT029381|Arabidopsis thaliana At1g75980 mRNA, complete cds

AAGTGACGAAAATTCGCTCGCATTTGCTCCACCGAAGTGCAGCAACAAAAGCGATTCGGACGGAACTTG  
GAATTTTCTGATTCTCCTACGGTTGGCTTCCGATTATCTCCACTAATGGAGCACGGAGATACCAATAACGATGT  
TCACGTTACTGTTCAAAGTTCTTACCACCACCACTGCCGCCGTGGAGAAGCAGGAACTACAACAAGTGGCA  
GAACCACTGCCGAAATCATTCCAAGAAGATGAACAAGATGAAGAGCTACGTAACTTCTGACTCCCGATGTTA

GGGATCTTCCGCTCGTTCCTCCCTCCGCCGTCGAGACCAATTCGTCTCGTATTTTCGCTCCCGATTTTATCAAGG  
AAGGTCATGATCAGTACGTTTACCGCCACGCAAACGGCTTGTGTGTGATCGGCTTGGCTGCTACGCATATTGC  
ATTTAAAGACGGTGGCGGGGTACGGCCGTTGATTTCAATGTAGGGAAATCCGATCGCAGCAGCTTTAAAGT  
CACTGGAAAACGCAAGAAGAATGCACAATTCTTTGAGCCCAATTCTGCTCTATGTAAAGTCTACACCAAAGAT  
GCTTCTTATATTGTGAGGTGTTCTGTTAAAGGTTCTCTATTGGAAGTAAATGATCGATTAATAAAGCAGCCAGA  
GTTGCTCAACACTGTGCCTCACAGAGAAGGGTACATTGCTATTGTTATGCCAAAAGCAGCAGACTGGTTGAAA  
GTCAAGGAGTCATTGCTGAGCCTTGAAGAATACAAAAGATTGAGAGAGCTCAACTAAATCATTCTTCCGCTGA  
CAGAAACCAAGTAATTTTAGATTTCTTCCATTGATGCTTCTCAATCTGTTTTTAACTGCCAGGTTTATCTCG  
CAGCATAGTTTAACCGAATGCCTGAGTGATAATAATTCACCTAGTTCTTGTAAAGTTTGAGAACATACACACACA  
CACATACACACACACTTACCTTGCCTGGCATTGTGATTTGTTAGAAAGTTTCTGAGTATAGGAGTCTAATATTA  
GTTCGAACTTTTCAGT

>trans\_c\_1768 XM\_002884695|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipin family protein, mRNA

TGGGAAGGATTGGACACAATCTGGCGTGGCTAGACTTTTTACCGCAATTAAGGAGAACGGTTATCAGCTGCT  
GTTTCTCAGTGACGGGCCATTGTTTCAGGCATATCTTACCCGAAGCTTCTTACTCAACTAAAACAGGATGGAA  
AAGCTTTACCAAATGGACCGATCGTTATCTCACCAGATGGACTATTTCTTCTTTATTTTCGGGAAGTGATTGCA  
AGAGCACCAGCATGAATTTAAGATTGCATGTTTAGAGGACATTAAGAAGCTTTTCCCTCTGACTACAATCCATT  
TTATGCTGGGTTTGGCAATAGAGACACAGATGAGCTCAGCTACCGAAAAGTTGGGATTCCAAAAGGAAAGAT  
ATTTATAATCAACCCCAAGGGAGAAGTGGCCATTAGTCATCGGATCGATGTGAAGTCTTACACGTCTTGCAC  
ACACTTGTAACGACATGTTTCCACCAACCTCACTGGTTGAGCAGGAAGACTATAACGCTTGGAATTTTGGGA  
AAGTACCGTTGCCTGACATTGAATTATAGTCATTGAATAGGGAAGACTGGTTTATACTGACAAAAAAGATCAA  
AGCGGCCTTTTCTTCCACACAAGATAGAAGTATTCGAAATTCTTACATTTTCTCTGTTTTCTTCCAAAAGTAATT  
TTGACAAAGAGAGCCACTGGAGCAGTGTTTGAAGCTGTAGCTATTTGGGTGGATCAAGCAAGTTCCTGTGGA  
ATAAAAGTAAAGATGTTAGTTGAATTTGTCTTGTCTTCTTCTGCTTCTTTTTGGTTTTATTACATTCAGATGCAC  
TTAATTCATTTATTTACAGAATAATCAACTCAGACTTTTGTCTAGCTGGTGATGCTTTGAGGTTCTTTGGTTAC  
ATGAAATGTTGTATATACTAAAAAGTAAATTGGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1769 AF385717|Arabidopsis thaliana AT4g35110/M4E13\_160 mRNA, complete cds

AGCATTGAAAAATGCCAAAAAAATTCAACTTTTTAATTTCTTTTTGGTGTTTCACCTAATTAGTCAATCTTTCA  
ACGTCGTCCAAGAAAACCCATTAATGGCAGCGTTAGAATATAGTGGCCACTCCAACCTTTACCTTTGCATATGAA  
AAATCTCTTCCATTGAGAGAAAAGAGAGAGAGCAAATCCTTCAATCAAAGCCAAGCTCGATTTCAAGTGAGATT  
TTAGCAAAGGGGATGGCTGAAAGGAGAAAAAGTTCGCCCAGATTGTATTTATGCTTCAAATCCGTTTCATGAAT  
GCACTGAATATTGCATTAGAAAAACAGCTGAAAGCAAGGCAGGAAAGGATAAAAAGTCTAAAGGATCTTTTA  
GGCTTGATATTTCCAAATCTTTTGAAGGAAGAAGGGGTCCCGACCAAAGCCTCCAAAAGAAGTTGATGGTG  
GACGGTACTCAAGCACAGTTCCTAACGAAGTGCAGTCACTCAACTCACGCACAGTTCCTATCGAAGCACAGTC  
ACTCAACTCACGTATCTCTTCTAAGAAGAATGTAGAATCAATAAATGGTGGTCATATATCCCCTGCCAAAAGAT  
TTTATTCAGAAGAAATTCATCCTGAAGAATCTAGTCTTACTGTCGAGCAATATGATACGCCTCGAATTCCTTCA  
ACCGATAGTTTCATAATGCCTGAGTATTCAGAGGATGCACCAAAGCAGGGTTCATTCCGATGCTCGAACAGA  
TGACAAATAATAAGAATGGGGGTGGGAATCATGAACTTTTTTTGAGAATCGTACACTCAATGTCAACAACGG  
TAAAGAAAGATTTGAAGGCAATCTAGTGAATCTAGCTTTAGCTTGTCTGGGTTTGAGCAAATCTGGTAGAC  
AGTGACGAGGGGGAGATTGAATCTGTAAATTCTGAGCAGTGTGTTCTGGTGGGAAAGTACCATGTAAATC

CAGCTTTTCTTCCATTCTGACATCGATCTTCGAAAAGTACGGGGATATTGCAGCTACCTGTAAATTGGAATCAG  
TTTCCATGCGCTCATACTA

>trans\_c\_1770 AJ401228|Medicago sativa mRNA for selenium binding protein (sbp gene)

ATGGACCCGGCTACGCTACTCCTCTTGAAGCCATGTCCGGCCCCAGAGAGACTCTGATCTACGTCACTGCCGTT  
TATTCGGGACTGGGAGAAACAAGCCTGATTATCTAGCTACGGTGGATGTTGATCCTAATTCTCCTAATTATTC  
TAAAGTTATCCATCGATTGTCTTTACCGTACCTTGGGGATGAATTACATCATTCTGGGTGGAATTCATGCAGCT  
CTTGCCATGGAGATCCTTCTGCAGATCGACGTTTTTGTATCCTTCCGTCGCTTTTATCGGGTCGCATATATGTGA  
TTGACACAAAAACAAATCCCACTGCTCCATCTTGCACAAGGTTGTTGAACCTGAAGACATCATACAGAAAAC  
GGATTAGGTTTCCACACACGTCTCACTGCCTCGCTTCTGGAGATATAATGGTGTCTGCTTGGGAGATAAAG  
ATGGAAATGCACAAGGAAATGGGTTTCTTCTCCTCGATTGAGAATTAATGTCAAGGGAAGGTGGGAAAAAC  
CAGGGAATAGTCCCCTGTTTGGATATGACTTTTGGTACCAACCACGGCATAAGACAATGATTAGTTCATCATG  
GGGTGCTCCTTCTGCTTTCAAAAAGGCTTCAACCTTCAACATGTTGCTGATGGTCTCTACGGGAGGCATCTTC  
ATGTGTATAGTTGGCCCGATGGTGAATTGAAACAAACATTGGACCTTGGAGACACTGGACTTCTACCTTGGGA  
AACAAGATTCTTGCACGATCCTTCCAAAGATACAGGTTATGTTGGTTGTGCATTAACAAGTAACATGGTGCGG  
TTTTACAAGAATCAAGACGATACGTGGAGTCATGAGGTTTCCATTTAGTAAAAGCATTGAAGGTTCAAAATT  
GGATACTTCTGAAATGCCTGGTCTCATTACTGACTTCTGATCTCACTCGATGATCGCTTCTGTACTTTGTTA  
ACTGGCTACATGGAGATGTGAGACAGTACAACATTGAGGATCCTAAAAGTCCTAAGTTAGTGGGTCAAGTGT  
GGTTGGTGGACTGAT

>trans\_c\_1771 GU189405|Phaseolus vulgaris cultivar G19833 SPX domain-containing protein 2  
(SPX2) mRNA, complete cds

CACGAAATTCGGTAAGAGTCTCAGCAACCAGATCGAAGAGACCTTGCCCGAATGGCGGGACAAATTCCTCTCC  
TACAAACATCTCAAGAAGAAGCTCAAACTTTTACAGCCTAACTCCGCCACATTAACAACCCCCCTTCCAAGAA  
GCCCAAGCTCGACTCCCATGCCGATTCTATATCTAATGAAGTCTTTGATTTTGTACTCTTGGAAAAGGAGC  
TCGACAAATTCAATTCCTTCTCGTTGAGAAGGAAGAGGAGTACATAATCAGATTGAAGGAGTTACAAGATAG  
AGTAGCTAAAGCAAAGATTTTGATGAAGAGTTGATACAAATTCGGAAAGAGATTGTTGACTTCCATGGCGA  
GATGGTTTTGTTGGAGAATTACAGTGCTCTTAACATACAGGGCTAGCTAAAATCCTCAAAAAGTATGACAAA  
AGAACTGGTGCCTTATTCGCCTACCCTTTATACAGAAGGTCTACAACAACCTTCTTACCACAGACCTACTC  
TATAAGCTTGTCAAAGAGTGCGAGGCAATGCTCGACCGCTCTTCCCTGCAAATGAACAGCCTACATTGGCCG  
AGGCAGCTTGAAGGCAATGAGGAATGTGCTCCTAGAGCATCTTCTACCGCCACCCCGAACAATGATGGGATTT  
CTTGAATGCCTAAGGAATTCAGAGATTTGAGCACATGGAGAGCGTGTATATGAAGAGCACGCTATCAGC  
ATTACGAGTTCTGAAAGAAATTCGAAGTGGAAGCTCGACTGTCAATGAATTTTCATTGCCACCATTACAGATA  
AATGGTCTAGAGGGAACATGGAAAAATGTTCCGGTGCTTGAACAGGAAGCCATAGCTAAGTAGTGTGTTGGTT  
TTTAGAAGATAACATCACTTTATTCCATTACTTTTATGACAACATCTTGTGAAGATGAATTAGGTACCAAAAATT  
TAAACATGTAAATCTTAAATATAAATCTAAAAGATGTAGCAGCTAGAAAGCCAATGTTTTTTTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1772 GQ451835|Solanum lycopersicum translation initiation factor eIF(iso)4G (eIF(iso)4G)  
gene, complete sequence

AATTGGGAAGTACCTAGGGCTCGTTCTATAACAAGGGGGGCAGATGGATCTGGTATCCAGTCTGCTGGACGT  
GGTCAACCGTTGGTTGGCAAAGCACCAACATTAAATGCAAGGCTACTGCCCAAGGTACCGGTGGGCTCATTA  
GTAATAAGACTAGTGCTCTATTGCAAGGTGAGGGTGCAGGTGGATCCACTACTCGTCTGTAACTTTGGGCA  
TGGATTAGAGCCTTCTGGTCAGGTTCTAAACCTGTTACAGCACCGACAGTTCTTTCACCGGCCGAGAGACAA

>trans\_c\_1773 AY054493|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g42570; K16E1.4) mRNA, complete cds

>trans\_c\_1774 AY607765|Populus alba x Populus tremula fasciclin-like AGP 13 (FLA13) mRNA, complete cds

TCTTTGAAGCAAAACCCCCTCTCTTTCTCTCACAAAAAGAACAAATACCCAAATCACTTTTCATTTTGAAATCC  
CCATTTTACCAAACCAATTCCCCTCCTTATAAATCCCATCTCCAATCCCTCAAAAAACAGAGCAATAATCCCAACA  
TTAGAAAATTTAAAAAAGAACTTCTTCATCATGATCAATAACATCTTCCCCATC  
TCCTTCTTCTCATTTCCCTCCTTCTCCGAATCTGTTTCAGCTCAATCTACTCAGCCACCCGGTCCCTCTGGTCC  
GACAAACATCTCCGCTATCCTCGAAAAAGGCGGCCAATTCTCAACCTTCATCAAGCTTCTCAAAGCACCCAAC  
AGAGTGATCAAATCAACAATCACTCAATAACTCCAACCAAGGCCAAGGCCTCACTGTTTTGCTCCCCCTGAT  
AATGCCTTCTCAAATCTCAACCTGGGACCCTTAATTCCCTCTCCGATCAGCAAAAAGTTCAATTGGTTCAATAC  
CATGTCGTCCCAACTTTCATCTCCATGTCCAATTTCAAAGTGTAGTAACCCACTTCGTACTCAGGCCGGAAAC  
AGCAACGCCGGTCAGTTTCCGTTGAATGTTACCACTTCTGGCTCTCAAGTTAATTTGACCACCGGTGTCGACGA  
CGCCGTGCTCGCCAATACTATTTATACCGACGGCCAGTTGGCTGTTTACCAAGTCGATAAAGTTCTTCTCCGG  
TTGATCTTTTTGGTACTGTGGCGGCGCCGGCGCCGGCGCCTTCTAAGCCGGTGAAGGCTGTTTCGGGTTCTGA  
TGCTCCTGCTGGTGCTTCGAAGGACACTTCTAGTGACGATACCGGCGCTGCTCCGGCTATGAATTACCGATTTA

CGGCGGCGTTTGGAGCGGTTGTTGGATTGTGGTGGCGTTTGTTCATTAAACGAGGATTTAACTTTGGGT  
TTAGGGATTTGATGAATGTGAAATTTTTGAGTTTACTTGGAGTTGGGAAATGAACTTGAAGAATAATTTCTT  
TTG

>trans\_c\_1775 Z48976|N.tabacum mRNA for phosphoglycerate kinase (cytosolic isoenzyme)

TGCAATTGTTGGTGGTTCAAAGGTGTCTTCAAAGATTGGAGTGATTGAATCCTTGTGGAAAAGGTTAATCTT  
CTTTTCCTTGGTGGAGGAATGATCTTTACCTTCTACAAGGCACAAGGACTCGCAGTGGGTAAATCACTTGTGG  
AAGAAGACAAGCTGGACCTTGCTACCTCGCTCATTGAGAAGGCCAAAAGCCAAGGGAGTTTCTCTTTGCTTCC  
AACCGACGTAGTGGTAGCAGATAAAATTTGCTGCTGATGCTGACAGCAAGGTTGCGGCAGCATCAAGTATTCC  
AGATGGCTGGATGGGTTTGGATATTGGACCTGATTCTATCAAGAGTTTTGGTGAAGCTTTGGATTCTACCCAA  
ACCATTATTTGGAATGGACCTATGGGAGTGTTTCGAGTTTGACAAGTTTGC GGCCGGAACGGAGGCTATTGCG  
AAGAAGTTGGCAGAGCTGAGTGGAAAGGGAGTTACCACCATAATTGGAGGAGGCGACTCTGTTGCGGCTGT  
TGAGAAGGTTGGACTTGCGGATAAGATGAGCCACATCTCCACTGGTGGTGGTGCCAGTTTAGAGCTTCTTGAA  
GGAAAAACGCTTCCCGGCGTCAGTGCTCTTGACGATGCTTGAGCTTGAGGGGAACTCAAACCTCTCGCCGTTT  
TCCATGTGTTATATCGTTAAGGTGGTGTGTTCAACCTTTTTGAGGATTTCTCGAGTTTGTGTTTTCTTTGA  
GAAGAGGTTGTAGTTATAGGATAGATTATCATTTGAATAAGTCTTAAATTCTCCTCTGAACGTATATGGTCCAC  
GTTATTGGATTGGATCATTTTTTTTCCATCTAATTGAAATGTTAAGTAATGTTAATGCCTGGTGCATTCAAGCT  
GTTCAACCATTAATCAAACGCCTTTTAGTTCACGAGGGTTGTGGTTTATGATTCAATATTGTGGATGCTTGAAT  
TTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1776 HM122642|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR17)  
mRNA, complete cds

GGGAACTGTAATGGTGATTCAAATCATGGAAGTAAGACTTCAAGGTCAGATCAAGAACGCCGGAAGGGATT  
GCTTGGACAGAGGATGAACACAGATTATTTCTACTTGGTCTCGATAAATACGGAAAAGGAGACTGGCGGAGT  
ATATCCCGAACTTTGTTGTGACGAGAACACCTACTCAAGTGGCAAGCCATGCACAAAAATACTTCATCCGTTT  
GAACTCAATGAACAAAGAAAGGAGGCGGTCCAGCATCCATGATATCACCAGCGTTGCAAATGGAGATATCTC  
AGCCACTCAAGGGCCAATTACGGGTCAAGCAAACGGCTCTGGAGCAGCTCCCTCTGAAAACCAACAAAACA  
GCCTCTCAATCTGCAGCTGGTCTCCCGGTGTGGGAATGTATGGTGGTCCAACAATGGGACAGCCAGTGGG  
CGGTCCACTTGTCTCAGCTGTTGGCACCCCTGTCAGTCTCCCTGCTCCCGCTCATATGGCATATGGAGTCCGAG  
CTCCAGTGCCCGGCACAGTGGTTCCCGGTGCGCCCATAAACATGGGCCCAATGACATATCCAATGCCTCCAC  
ATCTGCTCATAGGTAATATACAAATTATTGAATGCTGGGAATGCCTTTTTTTTTCTCAATCTTCAATTATCTCT  
CTAATTGGCAATGGAAAAATAAAGCCATAATGGAGGAAAATTTACAAGTTTCTGTATAGGCAGTAGGAAGTT  
ATGGAACAAAAAATGGTAAGCAGTTATGAATGAATAGGACATCCTCTGTTAGATCTCTCTTTTTCTTCTTT  
GGGTTGAAAACTTTCAATTCCCATTATTTGTGATAGAGATAGAAGTCTTTTTTTTTCTCTCTTTTTTC  
TTGCAAAAAATTTGAAGTAATGTTCAAAAGTTTCAGATTTGAAAATATTTTATTACAAAGAAGAATCAATGTTT  
GGATCTTGTAATCTTCTGTATTACAGTTGTTTATTGCTGTTTCCAAACAGTTTCTGAGTAATAATAATGAAGAG  
CTGGGCTGTTACATC

>trans\_c\_1777 NM\_104113|Arabidopsis thaliana ABA2 (ABA DEFICIENT 2); alcohol dehydrogenase/  
oxidoreductase/ xanthoxin dehydrogenase (ABA2) mRNA, complete cds

ATAGACAAAAAGCACAAATAAAACACACAGTTTGTTCACCTTTCATTTCTCTGAAGAACAACAAATAAAACAG  
AGCAACAATGGCCACTCCTCCAATTTCTCTCTGTTTCTCAAAGGTTATTAGGGAAAGTGGCATTGTCACTG  
GTGGAGCCTCCGGCATTGGAGAGGGCATTGTGCGCTCTTCCACAGACATGGTGCAAAGGTTTGTTCGTCGA

TGTGCAGGACGAGCTCGGTTATCGTCTCCTAGAAAGCCTCGGCGGTGACAAAGACCCAAACATTTTTTATTCTC  
ACTGTGATGTCACTGTGGAAGACGACCTTCGTCTGTCAGTTGACTTGACAGTGACTAGATTTGGTACACTTGA  
CATAATGGTGAACAATGCTGGGATCTCAGGCACGCCCTCATCCGATATTCGCAATGTCGATATATCGGAGTTC  
GAGAAGGTGTTTGATATAAATGTGAAGGCTGTTTTCATGGGAATGAAGTATGCTGCCAGTGAATGATTCCGC  
GGAAGCAAGGATCGATCATATCGCTCGGCAGCGTTGGTAGCGTCATAGGAGGAATAGGGCCACATCATTATG  
TAGGCTCGAAGCACGCAGTAGTGGGGCTTACAAGAAGCGTTGCAGCCGAGCTCGGGCAACATGGAATTCGT  
GTAAATTGTGTCTCTCCTTATGCGGTTCCAACGAATTTGGCTGTAGCTCACTTGCCTGAAGATGAGAGAACTGA  
GGATGTATTTACAGGTTTTCTGTGAGTTTGCCAAAAGAATGCAAAATTTGCAAGGAGTGGAACCTACAGTTGAA  
GATGTTGCAAATGCTGTCTTGTCTTGGCTAGCGAGGATGCTCGATACATCAGTGGAGACAATCTCCTCGTCG  
ATGGTGGCTTCACCCGTGTAAATCACTCGCTTCGTGTTTTAGATGATCGACATAGCAGTCGGTCTTCAACATA  
TTCAAAAATAATAAACGACAACCTGCTTGAGTCTATACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1778 NM\_123499|Arabidopsis thaliana UBC4 (UBIQUITIN CONJUGATING ENZYME 4);  
ubiquitin-protein ligase (UBC4) mRNA, complete cds

AAAGGCAACAAATTTGACTCTTTTTATATCTTTCTTTCTTTTACATGTAAAGGATACAGCTTGAATCACT  
ACTTCCGTGTCTGAACCGCTTTGCGGGTAAGAAAAGCCTTCATTCCCTCTTCCTATCGCTTCATTCTTTCTT  
TCCTTTCTTTCTTTCCACTTTCTTACCCTCTTCCCCTCTTCTCAATCCAATCCATAACCATGTCTTCTCCAAG  
CAAGCGACGTGAAATGGATTTGATGAACTGATGATGAGTGATTACAAGGTGGAACAATCAATGATAGCAT  
GCAAGAGTTTTATGTGGACTTCCATGGACCTAAAGACAGTCTTTACCAAGGTGGTGTGGAGAATTAGGGTT  
GAGTTGCCAGATGCTTATCCTTACAAGTCACCTTCAATTGGCTTTGTCAACAAAATTTATCATCCAAATGTTGAT  
GAAATGTCGGGCTCAGTTTGTGGATGTTATCAACCAGACATGGAGCCCTATGTTTGACCTTGTAATGTTTT  
CGAAGTGTTTCTCCACAACCTCTCCTGTATCCGAACCTTCGGATCCGTTGAACGGAGAAGCTGCTGCAGTAA  
TGATGCGCGACCGCACTGCATATGAGCAAAGAGTAAAGAATACTGTGAGAAATATGCAAAGCCAGAAGACA  
TTGGTGCTGTTCTGAGGAGAAATCTAGTGATGAGGAGCTGAGTGAAGATGATTATTCCTCAGGTGATGAGG  
CCATGGCAGGTCAAGCTGATGCTTGACTTTAATGGAAAAACAAACATCAACCCTCCTCTTGCTATGTTCTTT  
GTAAATGATTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAACTCAGTAACCATCAAAAATTGAAAGCTATGGAGAAGGTTT  
CTAGGCTCTACTGTCTTTATTTTCAGGATGGTTGTGTACATTAATCAAACTATGATATAATGTTTCATGTAAT  
TGTCATTTATCAATCAATCTATAATCCAACAGATCAGATACATTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1779 AJ297967|Fragaria x ananassa gene encoding methionine sulfoxide reductase

ATATCGGAATGGGTGATGATGGATCACCACTACAAGAAGGAGACGTGTAACAAGGCCTGGATCTGATGCAG  
ATCAACCATGAGAGAATTCATCTTCTGTGGTAAACATCTATGCCCTTGATGTGAGGGAGATTTGTTCCAAATGA  
TTGGAGTGTGTTACATTTGCGTTGGTCTCAATACCTAAAAAGGTTAATTCTTAACCCACAGGGCGGGCATCC  
CAGCATAGCACTAACCCATCTTGTGGGGTCGTCTTGAACATCAAGAAATGTGTGCTTGTGAATTCTCAAGGGT  
TCAGTTAGCCATCGTCTTGATGCAAAATAGAGAGCCAGCATTTGGCTCACACAGGAAGCAAGAAGAGGGAAG  
ACCCAATGAGATGAATAAATGTCATCTTTTGAAGTTCTCAGGTGGAATCATTGTCTTTTTCTTTATAAAGATAT  
ATGGTTGTAATTCTGTTCTAATCTATGTATATAATGGGGTGATGATTCATTTGTTTAATTTGGTGTGATGGTG  
GTTTTAATTATATATTCTGTAAGGTTAATAGGCTTATATTTATTTGTGGCTACTGAATCTTCTGAATGTATGTCTT  
TTTCTTTATTATTATTCTGTGCGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
ACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAACTT  
TATCAATCCCCCAACCCAAGGGGGGCCCCGACCCCATTTCCCCCAAGGGAGTCAAATTACCCCCCTCC  
CTGGCCGCCTTTTTACAACGCCGGGCGGGGAAAACCCCTGGCTTTCCCAATTAAACCCCTTGCAACAATCCC



CCTTTTCCCCAGTGGGCAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCAATCCCCTTTCCCAACATTTCCCCACCCTAAAGG  
AGAAAGGGAACCCCCCTGAACGGCCCAATTAACCGCGCGGGTGTGGGTGTTACCCCCAAAGGGAACCCCAA  
AATTGCCAGCCC

>trans\_c\_1780 AY075602|Arabidopsis thaliana At2g41350/F13H10.10 mRNA, complete cds

AATTTTGTTACATTTATGTAAATTTTCCAATTTCTACCCTAAATTTTGTGGCAAATCCCATTATATAAATATGTAT  
GTATATATTATGAAACATATTTGGAGATTTTAAAATCAGAATTAAGTTTCATATTTTCAAAATAATAATAATAA  
CAATTATAGGGAAGACCAAATTTTAAAACTATTTTCACTACTCGCTGCAGATCCGACGGATCATTCCGAGCC  
GTCACCGATCTCCTTTACTCCAACCTCCGTCTTCTGTTTTTGTCTTTTTGTTTAAAGGGATAAAAAA  
ACATACCATTTTCCGACCAACTATGAGCGATATAATGTCACCGGCGGTGCGATTCCGATTCGAAAATGGGATCA  
GATCCAACAGTCGAATTGCCGAAGTGAAGGAGTGGTTGGGATCCGAATTCGGCAGGGCCGGCAAAGAAGT  
TCCCATTGTAATACACCCCTTTAGCGTCTCTCATTTGCACAATCTCTGCAATCTCTCCCAAGCAAAGACACG  
CGCCGCCGAGATTCTGGCCAAAGACTTCCGCCTCAAGGCCGCCGAGTACCGCGCCCAAGCGGCGAGAATCAG  
AGAGATTTTGGAGAGCGTAGGGATGGCACAGGAGAATTAACCTCCAATGTCGTTTCATCGGCGCAAGTTCTT  
GCTAATGTGGCGAATTTGTTGAACATTAGGGATACTGAGCTCAGTAGCTTTCTGGTTGCAATGGGGGATATTT  
CTTTGAGGAAAATAAGTGTTGAGGAGAAGAGGGCAAAGGTGGAGAAGGATTCTAAGGTTCTACTGGATCAT  
ACTCGAAAGGCAATAGCTAGATTAACATATTTGAAGAGAACATTAGCACAACTAGAAGATGATGTAACCTCAT  
GTGAAGCTCAAATGGATAATTGGAAGACAAATTTAGCTGTAATGGCTGCCAAGGAGCGGCAGTATATGCAGC  
AATGTGCCAACTACAAGGCAATGCTTNAATCGTGTGGGTACTCACCAGATATCAGTCATGGGATACTGGTTG  
AAATGGCTGAGCAT

>trans\_c\_1781 BT010202|Arabidopsis thaliana At5g19860 gene, complete cds

ATAAATGTTTGGGCAAAGAGATATTTATTTGGGTTCCAAACGGGAAACACGACCAATGAATTACAGCGGAGA  
AGGGGAAGGTGAGAAAGATAAGGCTGATTAGTCGATCAATAAACATTTGTCAAATCTTTCATCAACGACAAAT  
CAATTAATGATCAACCTCACGATTTCCAAATCCAACCTCCAAATTTCTCTACCCATCACCGCCATTGCTCATCT  
TTCTCTTCTTTCCCTCAATCTATCGCTTCACCAATTGAAAGTTTTGTTTTTTGAGAAAGAACGATCAACCAATT  
ACCATCCATGGCGGGATCTCATCTGGGTCTAATCTTTTTACCTTCTTCGTTCTTGACCTCAATTCCTCCGCTT  
TCTGCAGCAGGGTCCGATGCCCCACTGTCTATGATGTTCTCCCTAAATATGGCCTTCCCAGTGGCCTTTTACCT  
GACTCCGTCTCGACTACACTCTCTCCTCCGATGGTCAATTTGTCTGTTCAATTTGGCCAAACCTTGTTACATCCAT  
TTTGATTACTTGGTTTATTACCATAAAACCATTACTGGGAAGCTCGAATATGGCTCCATCACTGATCTCGACGG  
CATCGAGGTTCAAGAAATTGTTTCTCTGGTTCGATGTGAAGGAAATCAGAGTCGATTTGCCGCCTTCTGATAATA  
TCTACTTCCAAGTTGGATTTATCAACAAGAAGCTCGACATCGACCAATTTAAGACTATCCAATCATGCCAGGAT  
AATGCTTTGGCCTCTTCTCTTGGCTCCTGGAACCGATTCTTGAGCTCCCGCCACCGATAGATGACATCCAGAT  
GCTAATCACCGAGTAGCTCGTCTTACATGTCCAAGTTCTTGAAGTTTTTCTTGCTGCATTATCGAAATGAGCA  
GAAGAAGAAATTTAGAAGTTTTTAGGTATATGGTCTCAGATTAGACATCAAAATGTCAAATGTCTATCTTGA  
AGACCTGTGATATGAGTGTTGTTAATATTTATGTGTCTTTCCGGTTGATCCTCAAAAAGAAATGCCTAAAACA  
CT

>trans\_c\_1782 NM\_001051245|Oryza sativa Japonica Group Os01g0833100 (Os01g0833100)  
mRNA, complete cds

AGGGATAATTTAATTAAGTCATTTTAAGAAAGGAAAAGTAAGAAGTAGGCCTTCCGGGCGAACCAAGGCGGC  
AAAAAGCCACCGGCCACCCTACCGCCACAATTTCTGCCGCCACAGAATTTTCCAACCTGCTTTATCGCATTTATT  
TATTTTTAATTTCTCTCGGTCTGTTGAAAATGATTGAGAGAGAGAGAAGCAGAGTCTGTTTTCTTCTGTTGAA  
TTTGAGTCAATTTTTGGGATCTCTCTGTTTCTTCGATTCACGGTGGATATGGAGCAGATAGGTCAAACGGAG

GTTTGTGCTCCGAGGTCTCTGCAAGTATGACAAGCTTTAATGGATTGGCTCTGTTTCTTCTTCATGTCATTGTT  
CAGATCGTGCGCGGTGCTCCTTCTTGCCTCAGATTTTGTCTACACCGTTTTAGATTTCCTCTTCTCCTTCAT  
CTGCGCCATCTTTTAAACCTTGCCTGCTGCTGAGCTTCCTCTTCATCAGTTTTCAACAAAGAAAATTAGCTCTC  
TTAATGATTTGGATGATGGTGGAGGTCAAGATCGCCCTCTGGAATAATCACGGTTGTTCTTGATTTGGATGA  
AACATTGGTTTGTGCATATGAAACATCCAGTTTGCCGGCCGTTTTTCGAACTCAAGCAACAGAAGCTGGCTTG  
AATTGGTTTGAAGCTGGAATGTGTATCCTCGGACAAGGAAGTTGAAGGAAAGCCAAAGATCAGTTATGTAAC  
GTATTTGAACGTCTGGATTGCACGAGTTCTTGAGCCAGGCTGCTGAATATGCTGAACTTATTTTATTTACTGC  
TGGTCTTGAAGGTACGCTAAACCACTGGTTGACAGAATAGATACAGAGGGAAGATTTAGCCATCGACTTTAT  
CGACCATCAACAGTTAGCACAGAATACAGAGAACACGTAAAAGATTTATCCTGTATACAGAGAGATCTCTCAA  
GGGTTGTTATTATTGACAACAACCTTTTAGTTTCTTGCTGNCACCAATGAATGGAATCCCATGCATTCCGTTCT  
CTCCAGC

>trans\_c\_1783 FN356967|Phaseolus vulgaris partial mRNA for inositol 1,3,4,5,6 pentakisphosphate  
2-kinase (IPK1 gene)

ATAACACCTTACACGTTTCTTCTCTATGATGAACCAGTCTTCCACCTTCTCCCACTGCCAACTATGGCTGCTTC  
CTTCACTCTCCACTTTAATGTTTTCTTTCACCTTCCAACCTCCCTACTCCTCTGCAAACCCCATTTTCATCTACTCCT  
TACACCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTTCCGGGTTTTATTGAACTCGACCTTGATTATACTTAGCATTCTCGCCAG  
AGGTCCGATCAGACTTCCAAGAGCATCTGCTGGATGGAAATCGTACTAGACCAGAAGGATGCTGCTGATTGG  
ACTTATAGAGGCGAAGGAGCTGTCAACCTCGTTCTTGCTTATACTGGATCTTCTCTCTTTTTTTGGGAAAGTT  
ATACGGATACAAAAGGCTGCAAGAAATGGATCACATTGCACGAGCGTTCGGAGCGTAGTTGCTTTGTCTGCG  
CATGAGCGTCTTCTGTGGAGAGATTTGGGGGATCTTGTTTCGTGCACAGATCGTGATGTTGTGTGTCAAATGT  
ATGTGCAGCATGTAATGATCCCGTTATTGGATTCCAAACATGTTGATGCTGGGGTCCATATTCTCGTAACGAGA  
GAATTCCTTGAGACTATTGAGAAGAACATTCTAGTCAGCGTCTGCTTGGAGGGTTAGTGCAGGGCGAGTCA  
ATATACATTGTGATTCTGTCTCTCTCAATCTGACCATTTCTATTTTTCTCAAGGTGGTGAAGGTGAATTTTGCA  
TATCTGTGAGATAAAGCCAAAGTGGGGATGTCTTCCAACCTCAAGATTCATAAGCAAAGAAATGCCATTAA  
GAAAAGTGTGACTCGTTTTAGGATGCTCCAAGCATGGAAGCTGCAGAAAGGCGAGATATCAGAGTTAAGTGA  
TTACGATCCTCTAGATTTGTTCTCTGGATCCCAGGACCGTATATATAAAGCAATCAAAGATCTTTTCTCTACTCC  
TCAGAATAATTTCCGTGTCTTCTTTTGATGGTCCCTAATTCTTGGGACAGAGGGTGGCTATGCTGTTGACACTA  
ATT

>trans\_c\_1784 XM\_002309156|Populus trichocarpa thioredoxin h (PtrTrxh3), mRNA

AAAGCTTTCATTTTACCACACCCAACGCGCCTTTGAACTCGAAGAAAAGTCAAAAAGTCCAAAATCTAGGGC  
AAATTCCATTTTCCGATTCCAAAATTCATAAATACAATTTGGGTTATTGCCAAAATTTCCATTTTCCCTGTTTTT  
CGATCGTCATCGTGAACCTACTGTTTCTGGGGTTCAAGTCCCTCGTCTTATCCCCCTCCGATTTACCATTTTTCG  
ATTGCTTTCCTTCAAAATCAATATCCGGAACAATTTCTTCCGCAAACCGCGTGGGTTTTTTTTTTCTCCACAA  
TTTATTGATGCCATCACCCCTCCACCGGCTACTGGATTGACTCGAGACTCCAATTCGGGGGTTCTTGAGGGCTA  
ACTTGTGATACGTAGAACAACCTTCAAAAATCTGTACTTGGACCTTCAAATGGGACTTTGCTTTAGTAAGTCCGAA  
ACCAGAGACGATGACTCTGAGCATCATGTTGAGTTTGCTGCTGGAATGTCCATCTAATCACAACCAAAGAAT  
CTTGGGACCAAAAGTTGGAAGAAGCTAATACTAGCGGCAAAATTGTGATAGCGAACTTCAGTGCAACTTGGT  
GTGGTCCTTGCAAGGTGGTTGCTCATTCTACAGTGAATTGTCAGAGAAATACGAGTCTTTGATGTTCTAGTA  
GTTGATGTTGATGAATTAAGTACTTCAAGCTTCTTGGGATATCAAAGCTACACCTACCTTTTCTTCTCTCAA  
GAAGGACAGCAAATCGACAAGCTTGTGCGAGCGAATAAAATCGAACTAGAGAAGAAAATTATTGCAGTGGC  
AGATTCTCTCCCCCTAATCGGATATGACTTCGGGTAAATACCATTTTAAAGTCCTTGAGTGTCTTCCCTGTATC  
ATGAATGTATGATGTTGTTTCTTGTATAATGCCTCTCTTTTAAAGTGTAGACTATTAGTAATATTTATTTTAATT

ATTGTGACTTCTTAGAAGCTTTCAAGCGCAAGAAAAAAAAATATATGAATGAAGCATGTGGGTTTTTCCACA  
ACG

>trans\_c\_1785 GU189242|Nicotiana benthamiana Tap46 (Tap46) mRNA, complete cds

GGCTCATTACCATCAAATTCGATCGCCGTTCTTCAATTTCTCATCTCTCTCCCCATAATTCAGTCTCATCGTTT  
CATACTTCATTTGTTTTCCCATTTCTGATCGACGAACTTAGGGTTTCGATTTCCGATTTCTGAATTTTTCATG  
TGAATTTGTTTTCAACCCATTTTAGCCGCCTATTAGGGTTTCTTCTTCCGAATACACTAAAATGGACGACCT  
GCCTCTGCCTTCAATCTTTGAACAAGCGAGGAAAATTCATAACGCTGCAACTGAGTCTGGTTTGGATCAGGAC  
GCTGTGAGGAAGGGTTGTGATGCATTACAGAAGTGTGAGGACATGATTGGGAAGCTGGGATTGTTCTCAGCT  
AATGAGACTAAGGAGGATATCAGTACCGGAAATCTTAAATATATTCTGGTGCCATTTTATCTTGCTGAGTTGAC  
TGAGAAGATTGTACAAGATGACCGAATTCCTCTCCTTAGGGCTTCCCAGGCAAATTAAGGAGTTCATATCA  
TTTTGTGAAGCTATGGAAGTGGTGCCACAAGAGGAACTTCAAACATCCACTGAAGGAAATTCATTGCAGATC  
GAAGGGCTCGTAAATTGCAAGGTTCAAACGTCAAAGGCTGCGGAATCAAAGTTACTTGAGATAAAGGAGC  
GAAAAGAGCGCCGTGGACGTTCAAGCAAAGCATCTGCATTGTCTGCTCCTATAGAGGCAGGAGAGGAGGAT  
GTGCTGGATGATGATGGAGAAGAAGAACGTGAGGCTTGGCTTACGACCATCACTTTGGCAATCTGCAAGGCC  
TTTGATTGCTAGAGATGCTGAAGAAGGAGGAGGAGATGCTCTTCCATTAAGGAAAAAGAAGAAAGGAT  
GGGGACAAGAACTTTCTAGAGAGATTCTTGATGATCGTATGAAAAGAGCAGAAGCTTGGCATCGGGATGGT  
GTTGTAAGAGCTCGATATACCAAACCAGCACCACTATCACTTGTGCAACATTTGCTCANGATGTCTTAGAAG  
GAAGAGCAAATGTCTCT

>trans\_c\_1786 XM\_002871526|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L10 family  
protein, mRNA

AGACTCAGCTCTGTCCTCTCTTCTTCTTCTTTCCAAACCTCTTAAATTCGCCATGGAAGCTTCTCTTATAA  
GCTTTACATCCTTCACACCTCCTCCTTCTTCTCAAATTCTAACCCTAAACCGACCCACAAACCCGTTGTCCTTCTC  
TCTTCCCGCCATTCCACCAATCAAACCCGCCATTATCGTGGTCTCAAGGTTGCCGCCGCAATTTCCCGCACTAA  
GAAAGAAGAAACCGTCGAAACAGTCAAACAACAGCTCGAAGACTGCTATCTATTGGCTGGAATCAAGTACAA  
AGGCTTCACCGTCAAGGAATTTCAAGAAGTCCGTCGATCTTCCCGAAACCTCAAACTCATTGTCGCTAAAA  
ACACGCTCGTTCTTAAAGCGATTGAAGGGACATCTTGGGAAGCTCTAAAGCCCTGTATGAAGGGCATGAATGT  
TTGGTTATTTGTTCACTCTGAGGAAATTCGGCCGCGATTAAAGCCTTATAGGGATTTCCAGAAGGAGAAGAAG  
CTCGAGGATAATGATTTCACTGGAGCGGTTTTCGAGGGGAAATTTTATGGGCCGGATGAATTCAAGGCGTTA  
GAGACAATGCCGTCGAGAGCGGAGGTTTATGCTAAAATGTTGGGTCTGTTGCAGGCTCCTGCGTCAAGCTTG  
GTCCGAACGATACAGGCTCCGGCGAGGGAATTGTTGATGGTTTTGAAAGCATACGTGCAGAAATTGGAGGAG  
CAAGGCGGCGGCGGCGGGCAGTAATGTACATAGAAGAAGAGCTTCCATTGTTACCTGTAAGTTAATATGAAA  
ACCCCTTCTGAATTAGCTGCCTACAGCAAGGTGTATGATTGATTTCTTTTTTTGGCCTCCTGGGTTATCAA  
TATAAAGTTGTTATGAGGAGAAATAGTAACTCTATGAGAAATGAGCATTGTAGAATCGGTGTAAAGTTGAAAT  
TCATTGTAAGCTTTTGATTTTCAAGCCTAATGATCAATTTATAAGCTTTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_1787 EU082108|Gossypium barbadense ethylene-responsive element binding protein  
(EREB2) mRNA, complete cds

ATCCCCAAATCAGTGTAAATCAAAACAACATACACATCTCCTTCAACCACTCCTTTTTTCATCTAACCACCGCCAT  
GGTTGCCAAGGAAAAATCTCCCCCAACAACCTTCTTCTTCTTCCAACAACAATGGTAAAGATCTTCATTTCCG  
TGGCGTTTCGTAAGAGGCTTGGGGCCGATACGCCGCCGAGATCCGTGATCCCGGCAAGAAAAGCCGCGTTTG  
GCTCGGTACCTTCGACACCGCCGAGGAGGCGGCACGTGCTTACGACACTGCCGCCCCTCAGTTTCGTGGCGCT

AAGGCTAAAACCAACTTCCCTCCTCCTGACGAGTTGATCGACGTTTCTCCTCACAAGATCAACCAAAGTCCTAG  
CCCTAGCAGCACCGTCGACTCCTCTTCTCCTCCAGCCATGAAAAACCCCCTCCCCGGAGATCTCCCGAAGCT  
ACGGCGTTGGAAGAACTTTTCATTCATTCAACCTCAGTTTTTGCATGGGGGCGGCGGCAGCGTTTCGTCCAGT  
TTTGTTCTGACGTTTTTGGTAAACCAGAATTCGTAGCTCATGGTTATCCTATACGGTTCGATCCGGCTATGG  
TGGATTTGACGTCGAGGTTACCGGTGGGATCCAGAGCGATTCAAACCTCATCGTCGTTGGTTGGCTTCCGACC  
GGCGAAGGAAATTCTGAATCTCGATCTTAATCTGGCTCCGCCGGTTGATGCTTAATTACTCCGCTAATTTTAGT  
CGTTTTCAATTAATTTTTTTGGGATTTTAATTTTGTTAGAGATTTAGAAAAAGGGGAAAAGAAATTAACGTGCT  
TGGAAATAGGGTACTACTTTATTTTCGTCTTTCTTTTTTTTTTTTGTGGCAGCTTGAGAGATGTTGTAATTCAT  
GATGAATCTCGTAAGTGCTATTGTAAAAATACTGTAAGAAAAGGACTGTAACTTCAATTTTAAAGTTGGAAC  
TAATCAAAAAAATGTTCTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_1788 EU798586|Cucumis melo cultivar Voatango calmodulin 7 gene, partial sequence

AACAAATAAATTTTCTTCTTCTTCTTTCTTTTCTTTTACATCGCGACTTTTTCAAACCTCTCCCCTTTCCAT  
TTCTCCTTCTTCTTTTTCTTCCCACGACTATGGCCGAGCAGCTCACCGACGATCAGATCTCCGAGTTCAGAAG  
AGCCTTCAGCCTCTTCGACAAGGACGGCGATGGTTGTATCACCAAGGAGCTTGGGACTGTGATGAGGTC  
ACTTGCCAAAATCCAAGCTGAAGCTGAATTGCAAGACATGATCAATGAGGTGGATGCTGATGGAAACGGAAC  
CATCGACTTCCCAGAGTTCCTGAATCTGATGGCTAGGAAGATGAAAGACACTGATTCAGAGGAGGAACTGAA  
GGAAGCCTTCCGTGTGTTTCGACAAGGACCAAAAATGGTTTCATTTCTGCAGCTGAACCTCCGTCACGTGATGACA  
AATCTCGGCGAGAAATTGACTGACGAAGAAGTCGATGAGATGATTCGTGAGGCTGACGTGGATGGCGATGG  
CCAGATTAACACGAGGAATTCGTAATAATCATGATGGCCAAGTGAGACAAAACCAACCAACACGAACAAG  
AACCTAACGAAGCTAATAAGAAGAACCGGAAAGGAGAGAGGTTAGCGTCAAAATATGTTCCATGACAACTAT  
AATATCCTTCTTAATGGGGCAATTCTATCTCTAGGAGAAACCCTTCTTTTCTTTTGGTGTTTATTATTAGCTTAG  
TTGTTGGTTCTTTCTGTTATCTTAATCTCTTTGTTTGATAATTTATGGTACTGTATTTTCTGGTATTGGTTTGCTG  
TTCTTCATCTTCGTTTCTTCTTCTTCTGAGTAGATTTTATAGTAGTGGAGTCTTTCTTCTATTATCAATATTTGGTATT  
TTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTTTTGTGTTTGGCAATATCAATTTCAAGTACATTTTCCAATGAATCCATTG  
TGCCTTTTTGGGTCTCAACATCACTCATGAATGTTTTGTTAATACTGGTGGAGATGGAGTAAACAAAGTAGTA  
CA

>trans\_c\_1789 NM\_102640|Arabidopsis thaliana ATNUDX15 (ARABIDOPSIS THALIANA NUDIX  
HYDROLASE HOMOLOG 15); hydrolase (ATNUDX15) mRNA, complete cds

AAGAAATTTGAAGGGCTTCAAATTCATGATTTCAATATTTAGAAGGCTATCGAAACCATTGTTGTGCACTACTC  
GTGTCTCAAAACTCATGGATTCTTCTGCGGACTCTTCTGGGGGCTCAAGAAGATTAGTCGTTTTGGCACAGCA  
ACTCCGCCTTTACAAGCCGCCTCCATTGTTGGACGACATAGAGGAGCCAAGCAGTGAGGAGAGCAATGGAAA  
GGTTGTTTCTCAAGTGGGTTTTCTGAATCAACCACTCCAATTCCTCGAGACCCAGAAAGATTAGACCCAAGA  
GAGCGGCTGTGTTGATTTGCCTTTTTGAAGGGAATGATGGGGATCTGCGGGTCATTCTACCAAACGATCCTC  
GAGGTTGTCTACTCACTCGGGTGAAGTTGCATTGCCTGGAGGAAAAGCAGAGGAAGGAGATGAGGACGATG  
GGGCACTGCGACGAGAGAAGCAAAGGAGGAGATTGGATTGGATCCTTCGCTCGTAAATGTTGTTACTGTTT  
TCGAACCATCTTGTCTAAGCATCTACTGAGAGTGGTTCTGTAATCGGCATTATGAATGAAAGAAATGCATTC  
ATTCCCAGGCCGAATCCTGCTGAAGTGGATGAAGTATTTGATGCTCCACTTGATATGTTTCTTAAGGATGAAAA  
TCGGAGATCGGAGGAAAAGAGAGTGGATGGGATGCAATACCTTGTTTCTTTGATTATGAGACTGAGAA  
CAAGAAATTTGTGATATGGGGTTTAACTGCTGGGATCTTAATAAAGGCTGCATCAATAGTACTCCAAAGCTCA  
CCATCTTTTCTGGAGCAAAACCTATCTTCAAGGTTCCAAGAGTTGTAGCTAAAGATACTATTATGCCTTAGAG  
TTGAGATTGTTGTTGGGGGTGTAGACTACATTACAGTCCTGTGTTGGTATGTTTTCAAAGTCGGACATTAAGT

AAATAGGATTTTGATGTTAATGTTTCATATGAATAAAAAGGTAGAAGATTCCAAAGATTATTGAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1790 XM\_002323809|Populus trichocarpa nucleosome/chromatin assembly factor group  
(NFA905), mRNA

AAAGCAAAAGGGTTTTAGAGACACTCTTCTTCTGGGTTTTACCGCTTCTTCCCCACAACGCCAAGATGATTGCT  
GATAAGGGCAAGAAGGCCAAGCTCTCTGAAAAGCCCGAAGACGACAATTCTGAGGTCATCGATGCGAAACTC  
GTTATTTCCATCGAGAAGTTGCAGGAAATTCAAGACGAGCTCGAGAAGATCAACGAGGAGGCCAGTGATAAA  
GTATTGAAGTGGAACAGAAGTACAATGAAGTACGAAAACCTGTCTACTACAAGCGGAATGAGATTATCAAAT  
CAATTCCTGACTTCTGGTTAACAGCGTCTTGAGTCATCTGCTCTTTGTGAACTTTTAACCGAAGAGGACCAG  
AAGATATTCAAACATCTCACCTCCCTGGAAGTGGAAGATTTTAAAGATGTCAAATCGGGTTACTCAATTACTTT  
TAACTTCAACACCAACCTTATTTTGAAGATACAAAGCTGACGAAGACCTTCACCTTTCTTGATGAAGGAACTA  
GGAAAATCAATGCTACATCGATAAAATGGAAAGAGGGAATGGGTTTACCTAATGGGTTTAAACATGAGAAGA  
AAGGGAACAAACGACCTCAGGCTGAGGAAAGCTTTTTTAGCTGGTTCAGTGATACAGAACAGAAAGATATTG  
ATGACTTCCATGATGAGGTTGCGGAAATTATCAAGGAGGATTTATGGCCTAACCTTTATCCTACTTCAATAAC  
GAGGCTGATGAAGATGAATTGGATGAAGACGAATCTAATGAAGAGGGAAAAAGAAGATGACGACTCAGATGA  
TGATGATGACGATCAAGATGATGACAATGATGCTGGTGATGATGAGGATGATGACTAAGATGACTAGTGAAG  
TTTAATGCATCTCTTCAAATGGCTCATTTCTGTAATAGTTGCTCAAGTATCAGTTGGTAAAGGAGAATCGTTTCT  
TGTGGTAGCCTTCTTCCGGTCGTGGTAGGGTAACGGTTTGTAAGTTCAGTTGGTCAGGCATTTGACTCGACT  
CTACTTTCTCCCTAAGAGCC

>trans\_c\_1791 NM\_123252|Arabidopsis thaliana DSBA oxidoreductase family protein (AT5G38900)  
mRNA, complete cds

ATCGCCATTACCGTATTCAACTGCCACTGCGGTTCTGTTTCTCCCGCAGACTCCCAATTCCATCCTCTTAATTA  
TTCCAGGGAGAGTACAAATTCAACAGGATCATGACTGAGTCAGTTGGGAGTAGGAACATGGATAAAAAGCTT  
ATACAAATCGATATAAGCTCCGACACGGTTTGCCCGTGGTGTTTTGTTGGCAAAAAAATCTTGACAAAGCAA  
TTTCTGCCTCTCAGGATCAATATGATTTTGAGTTGAATTGGCATCCTTTCCAGCTCAACCCTTCTGCTCCCAAG  
AAGGTGTTGTTAAGACAGAATATTACAGGAGTAAGTTTGAATTCAATCTGAACAGATGGAAGCTCGGATGG  
CAGAGGTGTTTAGGGGCTTGGACTGGACTATGACACTTCTGGGCTGACGGGAAATACTCTAGACAGCCATA  
AGCTTATATATTTGGCTGGCCAACAAGGCTTAGGCAACAACATGATCTTGTGGAGGAGTTATGCCTTGGATA  
CTTCACTCAGGGAAAATACATTGGTGACAGAGATTTTCTTTTGAATGTGCTAGAAAGGCAGGGGTGGAAGG  
AGCAGCAGAGTTTCTCGAGACCGCTGATAATGGAGTTAAGGAGGTCAAGGAGGAGCTTGAGAAGTACTCGG  
GTAAATTTTCAGGAGTTCCCTTTTATGTTATCAATGGGAAGCACAAATTGAGTGGTGCTCAACCCCTGAGGTT  
TTTCTAAGAGCTTTTCAAGTGGCAGGGAAGTGACTGAACTTAAATGAAGCTTGAATTTAACCGTCAATAAGA  
ATGTAACCTTTCTGTTACTAAAATCAGTATTCTATACTTATTCCTGTATTTACTACCATAATGGAATACATTTTCAG  
ATCAAACCTGCTAATTATAGATAGAAATTTGTTTGCCAAGTAATGAAATACTTGGATGTACACTATTAGTATTAT  
GCCATGCGGCTGTCCTTCATGCGATAGAGATTACATACCCAACCTTCTAATAAAAGCAAGCACCTCTCAGTGCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1792 NM\_119602|Arabidopsis thaliana ARI1 (ARIADNE); protein binding / zinc ion binding  
(ARI1) mRNA, complete cds

TGAGGACCAGCAACAGCAACTTGAGGCAAATGTTGAGAAGCTCTCCAAGTTTTTAGAAGAGCCATTCGATCAA  
TATACTAAAGATAAGGTAATGGAGATACGCGATGCAAGTCATCAATCTGTCAGTTATCACCGATACCCTCTGCA  
AGAAGATGTATGACTGTATTGAGAATGATCTTCTGGGTTCTCTTGAACCTGGGTATCCACAATATTGCTCCTTAC

AAGTCGAAAGGCATCGAGAAGGCACTGGAGCTTTCTGCTTGTTGGAACAGCAAAGCAAATACTTCAGATAAA  
TATCCACCATCTGACTGTGGTACAAGTGGAGGATTGTCGGAATGTGAACGACTGACTAGCTTGAATTCCGAGG  
AGAACGGATGCTCTTCTAGGAAACGTGCCGGGGCAGAAGTTGTTACTGGCAACTTTTTTGTCTTAACTTGC  
CTGCTGAGGTTGTTGATAGAACTGATATCTGGAAGTTACATGGTTATAAAGTACAGTTGTACAGATCTGACA  
TAAACGTTAGCTTCGTTGTTAGCATGGGGGGACAGGCAATCAAGGATTAGTAATCCTAGAGGTGCTTTTTTT  
AACTCTTTTTCTTTTTACTCTTTGCTCTTCATGTTCTTGTCTCAGGTTGGAATATATTGTCTTCGGCTGAGCCTA  
TATTTAAAGAGAATCTCCTTTTAAGTTCATGTTTTCTTTATTTCCCATTTAGCTTTTGAAAAATCCGCAAAATTGT  
ACATAGCCGTGATATCAATCAGGCTTTGATGGTAGTATTTGGAATGTAAATGCTTATTTCTCAGCCTGAGACAG  
ACAAAGAGAGTATATGCGTTATCTGATAAGTTTAATGTTTTCTTTGGCTGGAAAAGAAAAATTTCTATGCTTTC  
CTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCTCCAAAACTTATCCAT  
ACCCCCACCCCC

>trans\_c\_1793 AY143592|Glycine max urease accessory protein UreF mRNA, complete cds

ACTTTTGTTTTATTGTCATTCATCCAATTTCAATTCGATTCTTGCATATTCAGTTATAGTTCCAACACTCAATTCT  
CTCGCGCTAATATGCTATCCTGATGTCAATGTACCACGAGCATTGTTCAACGTTTTGCTTCTCCTTTGGCGAGA  
TGAGAATCTATGCAATAGTACAACTTGACATGGATGACAAACATTGTCACTGGAGCCAATGGCAACTGCTCG  
ATTCTATCCTTCCAACCTGGTGGCTTCGCTCATTCAATCGGCCTTGAGGCTGCAATACAAGCTCAAATCGTCTCAA  
GTCCAGAAGATCTCAAACTTTTGTATCCATTTATTGGACAACACTGGAAGTTTGTTTCTTCCCTTTGTTTATT  
CAGCCACACTATCACCTGATTTTGAAACCTGGAAGAAAAACGACAGGTTATTGGATGCAATATTAATAATGA  
AGTTAGTCGAAAGGCATCTGTTACGCAAGGGTCAGCACTCATGAGAGTTTCAGCAATTGTGTTTTCCGAAATC  
TCATCTCTGAAAGCAATGAGGGAGCACTTGTACGGGACTGGGACTGTGTGCTTCCACCATGCTCCTATCTTCG  
GGCTAATCTGCGGTCTACTTGATGGGATGGCACAATGTCACAAAGAGCATATCTTTTATTACCTTGAGAGA  
TGTTATTTCTGCTGCAACGAGATTGAATTTAGTAGGACCTTTGGGTGCAGCTGTGTTGCAACATCAGCTTGCAC  
AAGTTGCTGAAAACGTATTGAAGAGATGGATGAACCGTCCTGTTGAAGAAGCTTGCCAAGCGGTTCTTTGTT  
AGAGACGGTACAGGGATGCCATTCGTACCTGTTTTCTAGAATGTTTTGTTCTTGAAAAGTTTTTCAAGTGAAAA  
CTGCATCTTTCTTTGATTTTGGGGAATTGGGAGTCCCCTTCTTTCATGTTCTCTGCTTGAAAATGGTAGTGGAT  
TATGAGATAATAGTGGCAATGTTGAAAATCTTACTCACATATATGCATTTCAATTTGTATGGCACTCCATGTT  
TT

>trans\_c\_1794 EU661923|Glycine max NAC domain protein (NAC26) mRNA, complete cds

AACATGAGACTCACCACATTCATCTAAAGCCGCCAAGATAGGAAGATGAAGTCAAAGAAAACACCAATCAAA  
AACTGCCACTCTACACAAAACGACCAAGCCCACCAACATAAAAGCCCCATTCTCCATTCCAACATTTCAA  
AAACCTTCATTTCTTTCTTCTGTTTTGCCTAAACCTTAAATACCACATTCATTCTTTCATTTAATCCCAAAATTCA  
CTTCACAAATGAAGAAGAAAACCTGCACTGAGCTTCCTCCTGGCTTCAGATTTACCCAACTGATGAAGAATTG  
ATCATGTTTTACCTTAGAAACCAAGCCACTTCCAACCATGCCCTGTTTCCATAATCCCTGAAGTTGATATCTAC  
AAATTTGATCCTTGGGATTTGCCTGAGAAGGCTGATTCAGGCGAAAACGAATGGTACTTCTTCAGCCCCAAGAG  
ATCGGAAATACCCAAACGGGGTTCGGCCTAATCGTGCGGCGGTATCGGGGTACTGGAAGGCGACCGGAACC  
GATAAGGCGATTTATAGTGCATCAAAGTATGTTGGAGTAAAGAAAGCTTTGGTTTTTACAAAGGGAAGCCAC  
CAAAAGGTGTTAAACTGATTGGATTATGCATGAGTATCGTTTGATTGAATCAAATAAACAATCAATGAAACA  
TTCAGGCTCCATGAGATTGGATGATTGAGTTTTGTGTAGAATATACAAGAAGAGACATTCAAACAAAGGGTT  
ATTAGAGGAAAAGACAGAGGAATTAGCAACACAAAACGATGTCATAGAAAGGAATGGACAAGGACAACAAA  
TGATGAAATTCCCAAGGACTTTTTCAATAACACATCTATTGGATTTGGATTATTTAGGCCCATCTCTCAGCTTT  
TCAATGATACTTCAAGTATTAACCCAACGCTTGGGTTTCAAACAACACTGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCTTTT

TACAGTGTGGGAAAGTAGAGGAAGGAGAATAATGCCATTAGATTACTCATCTTCTTCAACAGATTTTCAAGT  
GAATCACAACAA

>trans\_c\_1795 EF492882|Cyclamen persicum heat shock protein 70 (hsp70) mRNA, complete cds

GCAGTATTTGTTCTAACCATTCAATCCAATTCAATCCAACAATCAATCAATCCATTTCTTCTTCGCTCAAATTCT  
TACTCCATCTTCAACTTTGCTTTGCTTTGGTATTCTGTTAATGGCGGGAAAGGGAGAAGGTCCGGCCATCGGTAT  
CGATCTCGGTACCACTTACTCTTGTGTTGGAGTTTGGCAACATGATCGTGTGAGATTATTGCTAATGATCAAG  
GTAATCGGACCACGCCCTCCTATGTCGCGTTCACTGATACTGAACGACTCATCGGTGACGCTGCCAAGAACCA  
AGTCGCTATGAATCCTCTCAACACCGTCTTTGATGCGAAGCGTTTGATTGGAAGGAGATTCTCCGATCCTTCGG  
TCCAGAGCGATATGAAATTATGGCCATTCAAGGTGATCGCCGGTCCAGGGGACAAGCCTATGATCGTCGTCA  
ATTACAAAGGCGAAGAGAAGCAATTTGCAGCTGAGGAAATCTCATCCATGGTTCTTACAAAAATGCGTGAGA  
TTGCAGAAGCTTACCTTGGTTCTCCGTGAAGAACGCCGTGTCACCGTTCTGCTTACTTCAATGACTCTCAA  
CGTCAAGCCACCAAGGACGCCGGAGTCATCGCCGGTCTTAATGTTATGCGTATCATCAACGAGCCTACAGCTG  
CAGCCATTGCTTATGGACTCGACAAAAAGGCGACCAGCGTTGGCGAGAAGAATGTTCTGATTTTCGATCTGGG  
GTGGAGGAACATTTGATGTCTCTCTCCTCACAATCGAGGAAGGAATTTTGAAGTGAAGGCAACCGCCGGTG  
ACACCCATCTTGGCGGTGAGGATTTGACAACAGATTAGTTAACCATTTCTGTTAGGAATTCAAGAGGAAGCA  
TAAGAAAGACATCAGTGGAATCCAAGGGCTCTCAGGAGATTGAGAACTGCTTGTGAAAGAGCCAAGAGAA  
CCCTTTCATCTACTGCCCAAACAACAATCGAAATCGATTCTCTGTACGAAGGAATCGATTTCTACACAACAATT  
ACTCGCGCTAGATTC

>trans\_c\_1796 FJ905102|Nicotiana tabacum cultivar SNN chlorophyll synthase (CHLG) mRNA,  
CHLG-2 allele, complete cds

CTGCGCAAGAAACAATAAATGGAACATTCGTCTTCAATTGACAAAGCCTGTTACATGGCCGCCCTTGTTTTG  
GGGGGTAGTTTGTGGTGCTGCTGCTTCTGGTAACTTCCATTGGACTATTGAGGATGTGGCAAAATCAATTGCT  
TGCATGCTTATGTCTGGTCCATTTCTCACTGGATATACGCAGACAATCAATGATTGGTACGATCGAGAGATTGA  
TGCAATTAATGAACCTTATCGTCCAATCCCATCTGGTGCAATATCTGAGAATGAGGTTATAACTCAAATATGGG  
TGTTGCTTCTAGGAGGACTTGGCTTGGCTGGTTTGTAGATGTGTGGGCAGGACATGACTTTCCTATAGTCTTT  
TACCTTGCTCTAGGTGGCTCTTTGTTGTATATATACTCTGCTCCACCTCTAAAGCTAAAACAAAATGGATGG  
ATTGGAAATTTTCTTGGAGCTAGTTATATTAGTTTACCATGGTGGGCAGGTCAAGCTTTGTTTGGAACTCT  
CACTCCTGATATTATCGTTCTCACACTCTTGTACAGCATAGCTGGTTTAGGAATAGCCATAGTAAATGATTTCAA  
AAGTGTTGAGGGCGATAGAGCTTTAGGACTCCAGTCACTTCCGGTAGCTTTTGGTGCTGAAACTGCTAAATGG  
ATTTGCGTTGGCGCTATTGACATAACGCAATTGTCTGTTGCTGGTTATCTGTTGGGAGCCGGCAAGCCGTATTA  
CGCATTAGCCCTGCTTGCTCTTATTGGTCCCCAAGTTTTTTTCCAGTTCAAATACTTCCCCAAGGACCCAGTCAA  
GTATGATGTCAAATATCAGGCCAGCGCACAGCCATTTCTGTGCTAGGTCTGTTGGTCACTGCTTTAGCAACCA  
GCCACTGAACCCAACATCGGAGAGAATTAAGCACACACCTAATCGCATGCAAGACAAATGCAAGGCCAGAGA  
AAGCAGGAAGCCAATTCTGTGCTCCCCAACAGCAACCGGCTCAATTCANGTTAAATTTTGCCTTGTTTGG  
CAACAC

>trans\_c\_1797 NM\_001084274|Arabidopsis thaliana ARPC3 (actin-related protein C3); structural  
molecule (ARPC3) mRNA, complete cds

AAGAAGAAGAAGAAGACGGTGACGGAATTATTAGAAGCGAAGAAGTCCATTTCTCCGATACCTGCCATTTGC  
TTCGGCCTTGCCCTGAAATTTCCGGTAGCTATTCTGACTCCGATCCGCTCATCGGAACAGAAATCTTCCGTT  
GAGAAGAATTGCGAGCTTGGGCAGAAGTGTAAGACGTTGGTTATTGAGAAAAATAATGGTTCATCATTCTAG  
CTTTGTGGATGAGGAAGGAATAAGCAAGGCTTGTGGTTGTCTTTACTTCCTTGAAAAGTCACATAAAGGGT

CCTGCTCCAGTTTCAGATCAAGATAAGACTGATATTGTTGATGAAGCAATTACATTCTTTCGTGCCAATGTCTTC  
TTTAGAAATTTTGACATTAAGAGTCCTGCTGATAAGCTTCTCATCTATTTGACATTCTACATCAATGTGGCTTTG  
AAGAGGCTTGAAGGTTGCAGAACTTTGGCTGTAGGAACCAAGGCAATAATTAACCTGGGTTTGGAGAACGTT  
CCCGTGCCCGGAGAGTCAGGCTTTCCCTTTCCTGGACTCTTCCCTATTCCCCAATCTAATGAGGAAGCAGAGCT  
ATTCAGGAATTATTTGAAGCAGATAAGAGAAGAAACGAGTGGGAGACTGTTGAGTGTTGCCTATAGAGCCAA  
TGGGACTCCAAATAAATGGTGGTTAGCATTTGCAAAGAGAAAATTCATGAACATCATCATTCCTTGATGAATTT  
GCTTCCAAGACTGTTGATGTGAAAGTTTTGAACATCATCATTCCTTGATCACATGGGCTGCTTGTGGTTTCTACT  
GGTATTTTAGGAGTTAGTTTGTATGAACAGAATCTGAATGTTATATCAGTTTATGCTAATGCATATCAAATTC  
ATCAGAAGCTAGGTCATATTCTTTTTCTTTTAATAATCATCTTAAATGTAATATGCTGTCATTTACAATTTTTG  
TACATCAAAAAATTACACAACCCATCTTAATCAGAAGAAATAGTTTATCTCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_1798 AF410269|Arabidopsis thaliana At1g52220/F9I5\_10 mRNA, complete cds

ATTCCATATTCAAAATTTAGAAGAAAAAAAAACCTAAAAATCAAATCTTGTGGTGGAGACCGAGGGAAGAA  
GCCACCAACGCCTTATCTTTCTAGAGGTTTCGTCATCCAAGGCCAGGAATTCCAATTAATTCAAATTTTTGATT  
TGGGTGTCTAAATTTGAGCTCAAAGTTCATTGATTTACCTTCTACTACTAATCATGGCTTCCATTGTTGCTAC  
TCTACCTCCGCCATTGTTGGCGCCCCGCAAAGCTTTACTATTTGAACATTTCTCAGAAGCTCTCTGTTTTATC  
CACTGCTAAAGGACGTTGTGGCAATGTTGTTGTAAAGGCTGTCGGAGGCAGCTCTGAGTCTTCTACTTCCCTT  
GATATTATTAAGTCTGTTGAAATGTTTGGGATCAACCTGAAGACCGATTGCACTTTTCGGCCTGGGATTTGC  
AGCTGTAGCAACTGCATGGACAGCAACAAATCTTGTTACGGCCATTGACAAGCTACCACTGCTTCCAGGTGTA  
TTAGAATTCATAGGAGCACTGGTTTCTTGGTGGTTTGTGTATCGCTACCTCTGTTCAAGCCAAATCGGGAAGA  
GCTTTTGCAGATAATCAACAAGTCAATATTAGATGTATTTGGACAGTAAAATTGGCCGATTGGACCAATCTTC  
ATTATATTCCATTCTTTTTTACAAAGTAATGATAATGAAAGAGGGTTGGTCCCATTCACAGTCAAGTGTGAAT  
TTTTAATCAAGGTTGGTGTTTTGTTCATCAATGTATTGCAATCCCAAATCTTCAATCTCTGCAGTCTATGTTTAT  
GTTTCAAATTTCAACACTTTATTTGGTAGGATTTAGAAAGACGTTGCATACCCGCAATGGTATGGGGTTGTAA  
TTCAAATCTATGTTTTGATTGACCTTACCANGGTTTGGTTTGTAAATAAACTAGAGGTACAAGGAAAAACCA  
CTCTAACCGACCAAAATCGTTTGTTAGTTTGGATTTGAATCGGTTGATTGGCGGTTTCGGTTGAAAATATGTC  
AA

>trans\_c\_1799 NM\_120890|Arabidopsis thaliana SYP132 (SYNTAXIN OF PLANTS 132); SNAP  
receptor (SYP132) mRNA, complete cds

TAAAAGGGAAAGGGCCTTCGTTTCCGCTCTGTCTCTGATCTGTCGCTCTCTCTTCTCTCTCTTCGTTGCTGGTC  
CAAATTTTGAACCTCAACGACGGATTTTCTCTGTTTCAGGAGCATTCAAAGCTCTGTTTCTATACCCATTTCTTT  
CCCTCTTGAAGCTTTCATTCTCACACATTTCTTCCCTGAACTCCGAGCTCGTTTTCATATGAACGATCTTCTT  
TCGGATTCCTTTGAGATCCCTCGGGGTCAACCTTCTAGAGGAGGAGACATTGAGCTAGGAACAAATGCTCCAG  
GGGATCAGGGCATGGGGGATTTCTTCAAAAAGGTCCAAGAGATTGAAAAACAGAATGAGAAGCTGGATACG  
CTATTGAGAAAGCTCCAGGATTCACATGAGGAGTCCAAAGCTGTGACCAAAGCTCCAGCAATGAAAGCGATC  
AAGCAGCGGATGGAAAAAGATGTCGATGAGGTTGGAAAAGTCGCACGTTTTGTGAAGACTAAAGTTGAAGA  
ACTCGACAGAGAGAATCTGGCAAATAGGCAGAGGCCCGGGTGTGGAAAAGGATCAGGTGTAGATAGATCAA  
GAACAGCCACTACTCTTGCTTAAAAAAGAAGTTAAAAGACAAGATGACTGAATTCCAGATTTTACGGGAAAA  
AATCCATCAAGAGTACCGGGAGGTTGTTGAGAGACGGGTTTTACAGTCACGGGTGCTAGGGCTGATGAAGA  
GACCATCGAGAAATTAATTGAACTGGGGACAGTGAACAAATTTTTCAGAAGGCAATTCAAGAACAAGGGCG  
AGGACAGGTCATGGACACTTTAGCTGAAATTCACGAGCGTCACAGTGCAGTTAGAGAACTGGAAAGGAAGTT  
ACTCGAGCTACAGCAGGTATTTCTCATACGGCAGTATTGGTGGAGGCACAAGGGGATATGCTCGACAATATC



GAATCACATGGTACAAGTGCAGTAGATCATGTGCAACAAGGGAATACTGCTCTTCAAAGGCAAAGAAGCCT  
ACAAAGAATTCTAGGGAAATGG

>trans\_c\_1800 XM\_002877488|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alpha-glucan phosphorylase 2  
(ATPHS2), mRNA

GAAATCATGCAGAAGTTTAGCCCTTGGGAAGTTGTCAGACATGACATTGTTTTCCCAGTCAGATTCTTTGGTCA  
TGTGGAGGTCAAGCCTGATGGATCCCGAAGATGGATTGGAGGAGAGGTTGTACAAGCTTTAGCCTACGATGT  
ACCAATTCAGGATACAAAACCAAGAATACCATTAGTCTTCGCTTGTGGGAAGCAAAAGCACGTGCTGATGAT  
TTTGACCTTTTCCAATTCACGATGGACAATATGAATCTGCTGCTCAGCTTCATTCTAGAGCTCAACAGATATGT  
GCCGTTCTATATCCTGGAGATGCTACAGAGAATGGAAAACCTTTGAGACTAAAACAACAGTTTTTCTTTGTAG  
TGCGTCACTTCAGGACATAATTTCAAGATTTAAGGAGAGAAAGCAAGGGAAAGATTACGGGAGTGGAAGTGA  
GTTTCCAAGCAGAGTTGCAGTGCAATTAATGATACTCATCAACCCTTGCAATTCCTGAACTGATGCGATTAC  
TGATGGATGAAGAAGGTCTTGGATGGGATGAAGCATGGGATATAGTTACAAGGACTATTGCTTATACCAACC  
ACACTGTTCTTCTGAAGCACTTGAGAAGTGGTCACAACATGTGATGTGGAAGCTTCTCCGCGCCATATGGA  
AATCATTGAAGAAATTGACAAGAGGTTTGTGGCGATGATCCATGCTGCTCAAAATAATCTTGAGCATAAGATA  
GACAGTTTGCATCTTGGATAATAACCCTCAGAAGCCAGTGGTTCGGATGGCTAAGTGTGTGTTGTATCTG  
CACATTCGGTAAATGGTGTGCTCAGTTGCACACCGATATCTTAAAGGCAGAGTTATTTGCAGATTATGTAACA  
ATATGGCCAACAAAATTTCAAAACAAGACAAATGGCATTACTCCACGTCGATGGCTCCGATTTTGCAACCCTG  
ACCTAAGTACCATAATAACCAAATGGTTGAAAACAGAAGAGTGGGTGACAAACCTTGTGGACAGGTGTCCAG  
AGGCTGTTTACAACA

>trans\_c\_1801 NM\_001125687|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L4/L1 (RPL4D)  
(AT5G02870) mRNA, complete cds

AGAAGTCTTCTGAGAAGAAGAAGGGTTACGTTCTTCCAAGGGCGAAAATGGTCAATGCTGATTTGGCTAGAA  
TCATCAATTCCGATGAGGTTCAATCTGTTGTTAAACCCATCAAGAAGGGTGTGAAGAGACCTTCATTGAAGAA  
GAACCCCTCAAGAACCTTAACGCCATGTTGAAGCTTAACCCATATGCTAAGACTGCAAGGAGAATGTCTTTAT  
TGGCTGAGGCACAGCGCGTGAAAGCTAAGAAGGAAAAGCTTGACAAGAAGAGGAGCATCCCGAAGGAGGA  
CGCTGCAGCAGTAAAGGCAGCAGGCAAAGCATGGTACCAGACAATGATTTAGATAGCGATTACACCGAGTT  
CGATAACTTCTCCAAGTGGCTTGGTGTCTCACAGTGATTTCTTTCTCCTTCTTGTATTTTATAGACCTTAGT  
TTGTTAATTAATTTTGTATGCTGTTGTTGCTCTTTTCTGTTTTGTGTCATGGAGGAAATTAGGTCGAGGAAT  
AGTCAATATTACACACAATGGAATCACGAGCTTGAGCGTTTCTCCTTTTTGCCTCCTTCTTGTCTTGGTGGT  
GGAAGAGTATTTACTTTTGAAATGAAATTGAACATCTCAAGAGCTTTAGGAAAATCAGTTTAGTTTTTGGTA  
TCAGTAATTTGCACTGAGGTTTACACTTCTAATCTTATATTTAAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCCGAAAAATTTTCAAAACCCCCACCCCCGGGGGG  
GGCCCGGGACCAATTCCCCCAAGGGGGGCGAATTACCCCGCCCCCGGGGCGCCCTTTAAACCGCGG  
GGCGGGGAAACCCCGGGTTCCCCACTTAAACCCCTTGAACAAACCCCTTTTCCCCGGGGGGGTAATA  
ACGAAAAAGCCCCCCC

>trans\_c\_1802 AF399920|Camellia sinensis beta-1,3-glucanase mRNA, partial cds

TTTGGTGGAGCAAATGAACCTGATGCTACAATTCAAATGCTGGCACCTATGTTAGCAATCTGATCAGGAGAG  
TTTCAAATGATTGAGGTCCACCTAGTCAGCCAATATTCCAATCAACACATACCTTTATGAATTGTTTAATGAAG  
ACAAGAGGCCAGGCCGATTTGGAATAAACTGGGGTATACTTTTCCCAATGGATCTGCTGTTTATCCTTTG  
AGTTTAATGTCTGGCCGTGCAACAGCAAATCTTCTGAAGTTTATTGTGTGGCTAAAGATGGGGCGGATGAAG

ATAAGTTGCAAGACGGCTTGAATTGGGCTTGTGGACAAGGAGGGGCAAACCTGTGCGGCAATTCAGCAAGGG  
AGGCCATGCTTTCTCCCGAATAACATTACTGACCATGCTTCTTATGCATATAATGATTACTATCAGAAAATGCGT  
GGTGCTGGTGGAACATGCGACTTTGATGGCACTGCTACACTCACGACGGTAGATCCTAGTCATGGGTCTTGCA  
TATTCACGGGAAGTTCAAATTCAGTGGAGGAGGTGGATTTTCTCCTCCAGCATTGGGGCCTTCAGGTCAGCT  
TCCTGGTGCAAGTTCAAAGTTGCAGATGTCTTCATTTAGCTCTTCATTTTGGTAATCTTTTCTGGGCTTTGAT  
GTTTATTTTACATGAAAAGTAGATTGTTCTTCAACTTCAGTAGCCAATACCATTCTTCAGATTCGTAATTTATT  
GAGCACAAATGAAGAGAGCATGATCTCTTCAACACACCTGGTTTAAAATGTTTCATCACATGTAAGTGTTTTGT  
TATTATTGTTCAATTTGTAGTTTGTAACTACTCTTCTGAGGTGGTAGTAAGTGGGTTAGCTTATGATTAATTTA  
TATTATTTTGGAAATTAATACTTCCCATTTTTGGTTATGGAGGGAAATTTTATTGAAAAACAGTCCATGATCTT  
TATCATCTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1803 NM\_106112|Arabidopsis thaliana ATHVA22A (ATHVA22A) mRNA, complete cds

ATTCTACTGTTCTTTTGCATCTTTTCTTCTTTTTTCTTTTCGCCTCTGGAAAGTTCGTAACACTAAACATTTTG  
TATTAACAGAGTATTTACCGAATCTCCCATTTGGTTTATCCGCTAATTTCTTTTTATCTCTTTCACCTTCAGCACT  
TGTTTCATGATTAAGGCACAAAGTTTCAATCTTTACTGTCTCTCTCTCTGGGCTACCGAAGTTCGACAAACCCA  
AGACCCCTTTTACGAGGAATCGATCATCCAGAAGTTTCAGATCAAACGGAGAACGGGAAGTCTTTACAATC  
AATCGACGCCAAATGGGATCTGGAGCGGGCAGTTTTTCAAGGTCATCCTAAAAAAGTTCGATGTTCTTGCCG  
GGCTCTTGTGAGTCTTGATATCCTCTCTATGCATCAGTTAGAGCCATAGAAACAAAGTCTCCTGTGGACGAT  
CAGCAATGGCTTACTTACTGGATTCTGTATTCTATGCTCACACTCTTTGAGCTTACATTTGCAAAAGTTCTTGAA  
TGGATCCCTATCTGGCCATATGCAAAGTTGATTTTGTATGCTGGTGGTTCATTCCATACTTCAGTGGTGCTGC  
ATATGTGTACGAGCATTTGTAAGGCCTCTATTCATCAACAAACAGACAGTTAACATTTGGTATGTTCCAAAGA  
TGAAGGACTTCTTCAGCAAGCCTGATGACATCCTAACCGCTGCAGAAAAGTACATTGCTGAAAATGGGACTGA  
AGACCTCCAAAACATCATCAACAGGGCTGATAAGGCTCGAACAAGTAACCGTTACATGAGCTACACTGAGAAC  
CACGACCACGACCACGATTACAACCACGATTACTGGCACTAGTCTATATCATGTGTTGGAGGAGGGTAAGATA  
GGATAATCTTTTGGCTGTGAGTTGGTTGATGCTGTGTGATAGTGTATCTGTATGTTTTGTATTTGTTTCATATG  
AAACACTAAACACTCCGTAAGTGTAAAGATATTCCTTCAAGTAGTTGGTCTAATATTATTAATGGCTTCTGGAG

>trans\_c\_1804 GQ226039|Carica papaya zinc finger protein mRNA, complete cds

TGAAAAGTCCAAACCCTAACCTAGCCCTGTTCCCAATCCCTTCTCCTTCACATCCGAGGCATTTCCACCTT  
TCAGCACCGGTGGCGGTGGGAATGGCGGTTTCCCTATCATATTCTCTACGACATCTTCATCTGGTGGCATTGG  
CGGTGGGGGTTCTATGATGAATGATCTTTCGGCGCTATTGGGAGGCGGTTCTCTTCGATCGTCGTCGTTGCAA  
AACCTGACGGTTTTAATCCCTTGCTTTTTCTCCAGAACTATCTCAAAGCGCTAATGTTCAATTGGTAATCCAA  
AACGCTTCGGGAGAGGCGTTTCATCCCCCTTCAATTTCAATCTTGGCGACTACTTCTTTGGCCCCGGCCTTGA  
GCAGTTGATTCAACAGCTTGCTGAAAACGATCCGAACCGATATGGAACCCCTCCCGCTTCAAAGTCGGCCATT  
GAAGGACTTCAGATATCAAGATTACGGAGGAATTGTTGGCTACGGATTCTTCACAGTGCCTGTGTGTAAGG  
ATACGTTTGAGCTTGACGAGGTGGCAAACTGATGCCTTGCAAACACATATACACGAGATTGTATAATTCCT  
TGGTTGGAATTGCATAATTCTTGTCAGTATGTCGATATGAATTGCCACAGATGATCCCGATTACGAGCAAA  
GAACTCGTGCGTCTTCAGCTCCTAATCGGAGTCAAAGCGAAAGTCAACCCTTTGGGGATTCTTCACTGGTGG  
GGAAAATGTTGTGCGGAAGCGATCCTAATTCTGACGAGAACTCGCAGACTCAACAAATGGGAGAGCGGAGGG  
TTAGGAGGATAGCTTTTCTTGGCCCTTCAGAGGGTCAGCTGCTGAGACTAGTAACAGTGGAGGTGGCAACA  
ACAGTGGAATAACGACGAACCTAGCTCCAGAAATAGGGGAAGCCAGAGTTCTTCAGAGCCAATGCAGGAA  
GATCTCGATTGATGATTACTGAACGGTCCCCCACCACAGCTTCTCTATTCTTGGTTAGATTTTGATATTGCTG  
GCATGAGGAACCTC

>trans\_c\_1805 NM\_001065585|Oryza sativa Japonica Group Os07g0182200 (Os07g0182200)  
mRNA, complete cds

CGGAATCACTGAGAGAGATTCTTCAATGCAGCATATGACAACTTGTTCCGACCTTTGGACATTTGCAAACCTC  
AACAACTCCGACCACCGCCGCCGTTGCATCTCCACCAGCCCTTTCACAATCAGACAAATACTGGGACGGTTGCT  
GCTATACCACAACCACTCAAATTCGTCCTAGAGTTCGAGCAAGACGAGGGCAAGCGACTGATCCTCACAGTA  
TTGCAGAAAGGTTGCGTCGAGAAAGAATTGCAGAAAGAATGAAGGCCTTGCAAGAGTTAGTTCCTAGTTGCA  
ATAAGACTGATCGAGCGGCAATGCTCGATGAAATTGTGGATTACGTAAAGTTTCTTAGACTTCAAGTTAAGGT  
TTTAAGCATGAGTAGACTAGGCGGGGCTGGTGCAGTGGCTCAACTTGTTGGCCGATGTGCCGCTATCATCAGT  
CGAGGGAGAAGGCATTGAGAGTGGTAACAATCAGCAAGCATGGGAAAAGTGGTCAAGTGATGGCACAGAG  
CAACAAGTAGCCAAATTAATGGAAGAAGATGTGGGAGCTGCCATGCAGTTCCTACAATCTAAAGCTCTATGCA  
TCATGCCCATCTCATTAGCCTCAGCAATTTTCAGGACACACCAAGCAGATCCACAAATCTTAGTCAAGCCAGAA  
ATGAACACTCCCTAGATCATGGCCCCGGTGATGTTGCAAGTAGCACGTGCTCCAATCTCATACTCGACAATCGT  
GCTAATTTGCTCTATCTTTTCTTAATTATGAATTAATCAGTATAATATAATCTAGTCTTTCTAATTTTTCTTGATT  
TATGAGGCATATTCAAGTAAATGCAACTGTTTTAAGCTTGAAAATTGTACTTGAAGTGCTTCTTCTTGCCAAG  
CTCAAGTTTGGGGAAAGTGATTTTCAAAGCTCAATTGGTGTCTCACTTGTTGTTNCATGGTTGAGTTTAGCG  
GTAAAGGACCGAAATAGTTTAAGGGGAACATTTAATAGAAGGTCCAAACTCAGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1806 Novel Gene

TGATCAAGAGGAAGTTGATTATGCTAAGGCAATATCACTCTCAGAAATGGAAGTTGTAAAGCGGGAAGCATT  
GATCATTGAGAAACAGAAGATGAAAGCCATCACATCCCAAATTGAAGAAGATGAGGAGCTCGCCAATGCAAT  
GCAACTGAGCTTAGTCCTGGAGTCTTCTCTTTCAAACGACAGTGCACATGCTTCTTCCTCTCGACCTTTCCTGGC  
CTCTGAATCCAAGATACTCTGTGCTGGATGCAACGCCGAGATAAGCATAACATGAACATGTTTTCGAAAATAAT  
GGTATTGTTTGGCATATAGAATGTCTCATATGTCATACTTGCAAACGACTAATCAAAGATGATGAGGCAGCTTT  
AAAGGAGGGAAGAAATCTGGGACTTCGTTAACTTGTTGATCCTAAGTAATCTATCCCAAACCTTGTTGATT  
ACAAGTCCGATGATTTGTGACAGTTATGCATGTCTGAAAATCGACCTTATCACACATCTTGTCCAAGGAATATG  
AGGCATTCTAAATGCTATGTATGCAACAACCTTGTAAGTAATTTCAAGTCTTCAATGATTGTGATGTTTGCATAT  
CGATTCTCTTACTAAAATATCAAGCATAGTATCATATCAGTTAAACTTAGTTGGCCTAGATGTACAAGTAAGA  
AAAAACTTCAAGAGGTGGTTGAAGAAGTGCTCCTCTTTTCGTCCTTTTGTGAGAAAAACAAAGTGCTATAGCA  
TGCTAGACTTTTAGCTGTTCTTTGGGGTACATGGATAGAAATAACAGAAATTTCTAGAGAGGTGGAGAGATCGA  
GCGAGGAGGTATGGAAGGGGGCTAGGTTTAATACCTCCTAGTGAATGTTGTTAATAGGCTCTTTTGTAAAGTA  
TGGCCTTGTTTGATCTGGTTGGATTGGAGTGCCTTTTTGTAGTTAGTTTCGATTTATTGGGTCTTTCTAGTGG  
ATTTTTTTAGTGTGCCCTGTATTTATTTCATTTTCTCTCGATGAAGCAGTCTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_1807 NM\_105555|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein  
(AT1G68810) mRNA, complete cds

ACAAGACTGGCCCCTGCCTCCTCTTTTGCATCAGTTATGGAAGATAATAACTGGGATCGTTCTACTAAGCCTGA  
GGGGCTAAATTTTGATCACTGCAATCCCAATTCAAGCCATGAAGCTTCTCTTCTCATCCATGGATGATTAATCC  
TCAGTTTTCAAGCTCAATGAGTTCTTCCCGTCATTTTCAAGTCCATCAGAAGGAATCATTGTTGAAGATAGAGC  
AGCTTCTGCTTCAAAAAGCCATAGCCAAGCAGAAAAGAGACGTAGGGACAGAATCAATGCTCAGCTTGCAAC  
TCTTAGGAAACTCATTCCCAAATCTGATAAGATGGATAAAGCAGCTTTGTTGGGAAGCGCAATAGATCAAGTG  
AAAGACCTGAAACGAAAAGCGATGGAAGCCAGTAAGAACATGACAGTTCCAACAGACATGGATGAAGTAAC  
TATCGACTCCACCATGGTTGAAGACAATAGCAGCAATAACATTGCGATAAAGGTATCGGTGAGTTGTGACGAC

CGGCCAGAACTGCTCACAGAGCTCATCCAAGTGATCAAAGGATTGAACTCACAACAATAAGAGCTGATATG  
GCCAGTGTGGTGGTTCGCATTAAAGCATACTTATCCTTTGCAATAAAGATGGTGAAAAAATGTCTGCTTAA  
ACACTGTTTCAGCAGTCTCTTAAGTTAGTTTTAAGTCGAATGTCATCATCAACTGCCTCGACCTATCGTATTA  
GAAGTAAACGACAGAGGTTCTTCTCCCTTCGCAATATTCATAGTAGTTTCTTCTTCAATTATTTAACTACGA  
ATAGAGCTATCGATCGAAAACGAAGCTTCAATCCAATTACAATGGATTGACAAAAAGATAAGTGATAAAGCC  
GAAGCCTCTTGAAGGAAGGATGAGGAGAGAAATTGAAGCTGTATTAAGATTCCAAGTTGGAAAACAAAATA  
GATAGGTAAAATCCATCAAAAGATTCGTTAAGTGTAGTATTGGAAAGACAGAATAGAAAATGGACGAGTCAA  
AGAACACCAATATAT

>trans\_c\_1808 NM\_001050923|Oryza sativa Japonica Group Os01g0772000 (Os01g0772000)  
mRNA, partial cds

ACTTTATTACATAAGCAATGTTGGATTTTGGGGCAACCAAGGGGAAGCAAGAAGTGAAGTCCTTCCTCTCCAC  
ACTCTCCATCTTCTTCTCAATTTCTAGGGTTCTTCATTTTCTCTCTCTCTCTACTGAAACCCCTTCCTTTCATTCA  
ACATGTTCAAAACAAAGCTTCAAGAACTCTGTCATCGAAATCTTACAAATTACCTGAATACTCAGTGGTTAAA  
CAAGGCCAAGACCACGACCCACGTTTTGAAGCCACTGTCACCGTCGACGGCAAGCAATTCTGTTTCATCCACTC  
CTTCTAAATCTTCCAAGCAAGCACAGAACGATGCTGCTAAGCTTGCTTTGACTTCTTTTCTTCTTCTTCTTACC  
TCAACCGTCCCAGCAGCTTTGCCCTCAACCAGTTTTGCCAGAATCCTTCTCTCCCCGAAACTAATTCCTTCTATT  
CTCCCATTTTCTCCCCCTCTCTAGATTTATCTTCTTTTCTCAGCCGTCTTTGCCTTCGCAATTGGGCAATTTTGG  
TGCGATAGCTAACCTGGACAACAAAGTTACTTCCCCACCGAGACCAGAAGTAAAGCTTGAGGTGGCAAACAA  
ATCTTCTGAACCTAAGGAATCTAGTAAAGATTCTCCCATCATGAGTAATATGGACGTCAAATTTGCAGGACAGT  
CAGTTGAACCAAAAATTCTGAACACTGACAAGTCTCCCGTGGTTGAAGACTTCGACAAAGAATGCCTTAAATT  
GACTGGTATGCAACATTTGTACAAGAATAAGCTGCAAAATTTCTCCAGAAGAGAAGCCTCACTTTACCTATGT  
ACACATGTGAGCGTGATGGCCACCCCATGCTAGTCGCTTCAGATGTAAAGTGGAATAGATGGAAAGACTT  
ATGGAAGTCCAGAATTTTCATGGCACATTGAAAGATGCTGAAAATGCAGTTGCAAAAGTTGCTTTAATGTGTTT  
ATGTCAAGATGGGAGCTCAGAGGATTCTGATTCTGGCCTTTACAAAATCTCTTAACAGAGATGGCCCAAAAA

>trans\_c\_1809 BT003128|Arabidopsis thaliana At1g44770 mRNA, complete cds

ATTGAAGCAAGGTTTGTACAGATGAAGGGCGGCCATGGCGCTCTGGAGGTGGCCAAGACGGTCATCGAGGT  
CGCAGATGTGGCTTGGTCGGCGATTGAGTGTGGCATCACCATAAACCCAGCCATGATTCCGCTGAGCGCATT  
CTTACAGAGGAAGAAGAACTTGATGCTCTGCGATCTGAGAATCGGAGATTGAGGAAGTTGCTTGAACAAAAT  
CTCGACCTCCTTCAGAACATTTCTGAATCTCACTGTTTGCTCAAGGATTTCCCTCCCGATTTGTACGCTCGTCTC  
GTTGCGACAGTGGATTCTGAGAAGTTCTTAAATGAAATTAATCCCTCAACGAAGCATCAAAGATGGAATTA  
GCTATGAATTTCTTTTCAGGGAAGCTACAGGAGCTGATTCGCACACAGCTGACATTCTTGTGAATGTTAGCCGT  
GAAGCACCCAGTTGGTGGGTATGGGTTACTGAAGATATGGTCCCGAACAAAGTTGAGGAATGGAGTGGAATT  
GATGATGAAAATTATGTGATTGTATCTGAAGAACATGTGGTGGATGCAGTTGCCCACTTTATGGCTAGATGTA  
TTATGTCAAACCCAAAAACCCGGAATATATCACCTGAGGAGCTGCAGAAAACAATAGCTAAGGCACTTGATGG  
TATGGGCAGCAAAGTGGAAGATGTTTGAAATTTGGCATGCTGGGCTGCTGTTTTATTCTTAGCCACTTGG  
GGGCTTGCACTGGCCGGCTTGACAAGGGCCGGGCTATATTGAACTGGCTGCCGCTGGTGTTACCATACG  
AGCAAAGTGGAATGAAGGTGCTCTGAAGAAGCTAATGATATTCATCAAATGTATAATACCGCTTGGGGTTCA  
TTTTTCTTCTATCAAGTGATGTAAATACTTTAATATTTCTATGGTATTGTTTTTTCTTTTTCTTCTTTTGG  
TGATTTGTTCTTTTGCAATTGTGTTGATTACTATTAATAATTGTAAATCTTGACAGTTGCTTCATTCCAGTTATACA  
TTATGTTATT

>trans\_c\_1810 NM\_120518|Arabidopsis thaliana ATLDA (LIMIT DEXTRINASE); alpha-amylase/ limit  
dextrinase/ pullulanase (ATLDA) mRNA, complete cds

ATTTGTGACTGGTCTATTGCTAGAGCCTAATGACCATCACCATGGTACACATGAAGTTGCGGAATCTATGCTTG  
CTGTGTCAAAGGATCATATTGAGGTTGCGATGGCTGCCAATTTGAGAGACTATATTCTAACCAATTTTGAAGG  
AAAAGAGGTGAAGGGGTTAGAAGTACTGACTCATGATAGATCTCCAGTGGCGTATGCTTCTTGCCCCACAGA  
AACTGTAAATTATGTTTCTGCTCATGATAATGAAACTCTATTCGACATTGTGAGTTTGAAGACTTCAAGGAACA  
TTACCGTAGATGATAGGTGCAGGATTAATCATTTGGCCACCAGTATTATAGCATTATCACAGGGAATACCATT  
TTCCACTGTGGTGATGAATTACTACGCTCAAAATCAATGGATCGTGATTCATACAACCTCTGGTGATTGGTTTAA  
CAGACTTGACTTCACTTACATGACAAATAATTGGGGCGTTGGCCTTCCTTTGAAAGAGAAGAATCAATACAAC  
TGGCCGCTAATAAAACCTAGACTGGCTGATCCCTCCTTCAAGCCTAGTAAAAGTCACATTCTTGCTGCTGTGGA  
AAATTTCACTAATCTGTTACAAATCAGATACTCTTCACCACTTTTCCGTTTGAAGACATCTCATGCTATCCAGAA  
ACGAGTTTCGTTTCCACAACCTCAGGCACGTCACCTTATACCCGGACTCATAGTGATGAGCATTGAAGACGGGCAC  
GAAGGCATTCCCGGGTTAAGTCAGCTAGATTCAACCTACTCGTACATTGTTGTTGTGTTAATGCACGTCCAAC  
TGAGATTTCAATTCCTTGCTGCTGATTGCGGGCAAAAACCTTCAATTACATCCATTAGTTGATGTCAACCGA  
TCCCATTGTAAAAAATTCAACATACGAGCCATCCACAGGATGCTTCGTAGTGCCTCCAAGGACGACATCAGTA  
TTTGTGGAGCCTCGGATACATGAGTAGCCTCATTCCCTGAAATGGTACTCCCTTATGTCTATGTCATCCAGAC  
TAACTG

>trans\_c\_1811 Novel Gene

CAATAACTCGGCTTGAATTCCATTACATGTCTTCGGCTGTCCCCACAATTTTCATGCGTATTCAGCCAGATAAAA  
CTTGGTGCAATTTGTTTGGGCGTTTTTACTTTTCTCCAAGTGGCCATTCTTCTTCTCAGCACTATTTTGATCCCC  
GTGGTTCATCCCCCGTCAGGTTCTACCTGAGAAATACAGCTACTACCGGAGGATAGATCAAATGGGAATCAT  
GCTACAGATTGTGTCATTTGCATGACAACCATAGACGTTTCACGCCCTAACGATTGCATGATTACTCCATGTGA  
TCATTTCTTCATTCTGGTTGCTTACAAAGATGGATGGATATAAAGATGGAATGCCCAACTTGCCGCCGTTTGC  
TGCCTCCTGCCTGATCGTATCTAGTTGTATCTACATTTATTTACAAGTCAACTGACATTTCTTGCCCCAAAATTT  
TGTTTGGGAAAACAAGGGCAGATTTGAAGCAGCTTTAAGATGTTATGTAGAGAGTTACAATGTTGGGCTTCA  
ACAATCACATCCAGTAGCTGATCTGTATTGTTTGTATAATGTATATCTTTTCTGTACATTTGATACGATATCTGT  
AGTTGAATAGGTAGTAGAAGTGAGTGAATCTCTTCTTACGTTGAATCTTTTGTATTATGCTTAAAATAATAAAG  
TAACATTAGCTCTTAACTGCACTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCC  
CCCCCAAAAATTTATTAACCCCCACCCCGGGGGGGGGCCCGGGCCCAATTCCCCCTAAAGGGGGGGCG  
AAATACCCCCCCCCCGGGCCCTTTTTTAAACCCCGGGGGGGGGGAAAACCCCGGGGTACCCAAATTAATC  
CCCTTGGAACAAATCCCCCTTTCCCGGTGGGGAAATAACAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTCCCAAAAT  
TTGCCCC

>trans\_c\_1812 AY050443|Arabidopsis thaliana AT4g15470/dl3775w mRNA, complete cds

GGAGAAGAAATTGTGATTTTCAGGGAGAAATTTCTCGGGAAAATCGGCAAGAAATTTTGGAGCAAGAACG  
AGAGAAATGTTTCGGGTACACGGGCGTGAGCAACAAGGGTGGAGAAGTAGACCTAGAATCTGGAGAGACCTT  
GTATCCAGGTTTGAGCTATGGCGAGAATCAGCTCCGATGGGGTTTCATTCGTAAGGTCTACGGAATCCTCGCG  
GCGCAGATCGTCCTCACCACCATTGTCTCCTCCGTCACCGTTTTGTACTCTCCGATCAACGACCTTCTCCGGGGA  
AATTCTGGCCTTCTTCTGTTCTCTGCTTCTTACCCCTAATTTTACTTTGGCCCATGTACATTTACAGGCAGAAGC  
ACCCTCTGAACCTTGTCTTCTCGGAATTTTACGGCTACACTTAGCCTCACAGTTGGTGTGAGCTGTGCGAAC  
ACTGATGGCAGGATTGTGCTGGAAGCACTAATTTGACCTCAGCAGTAGTTTCTTCTTAACTGGGTACACCTT  
CTGGGCCTCCAAGAAGGGCAAGGACTTCAGCTATCTTGACCATTTTGTACTGCTCTAATGATTCTCCTCCT  
CACTAGCTTCATTACGGCATTCTTCCCTCTCGGTCTACTTCCACTGCTGTTTACGGTGGAATTGGTGCGATAAT  
ATTCTCGGGGTACATTATATACGATACCGATAATCTGATCAAGCGCTTTACATATGACGACTACATATGGGCTG

CAATCACCTATATCTTGATATCTGAACTTGTCCTCACCATTTTGC GGATGCTGAGACAGGGAGACAATTAG  
GTGGACAAAGTTTTCTCTACCTGAATTCAGGCTCAATCGTTCAGCTGCTTATTATATATATATGTATGTTTAAAA  
ATAATTTTCGGTTAAAAAAGTACATAACTCTGAAGTATTTTCATGTTGCTTTTAGTTCTTATTGTGACTGAA  
TGAAGTTTGATATATCAGTTCAATTTGTCCAGCTAAATTGACTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_1813 NM\_125196|Arabidopsis thaliana ATPase activator/ chaperone binding  
(AT5G58110) mRNA, complete cds

ATTTTGCAGAACCAAAATAAAAGATAGTCTCACATGGGCCATCATCTCAAAAGCATAGATTCATCACACCGAT  
CCGCGAGCCGAGCAGAACGTTTCGAGAAAAGCCTAGTTGAATCTCGTGAATTTATACAAACAAACATCAACCA  
AACTTCTTGTTTTCTCTCTGTAATTCATAATCTTCACGAATCTTCTCCGAAACAGAGTGATACAGATTGGAAC  
AAGCTTTTCTTTATTGTTTTGTGATGGAGAATGGAGGAGCTGTTTCGTGAGAGACCCAACAAGGTGCCTCTT  
ACACTTATTGGGTTAGGGAAACGCGCCAAGATGCAGCTCCACTTCCTGTTCTCGCAAACCTTTCTGCTGATGAC  
ATTCTCGCTTCTCAAGCGTCTCAGCCTCCACACTTGGCTCCGTTTGAATCGGGCTGGAACCTGGGAGGAGA  
AAAACCTGAATAAATGGGCAACTGATAGAATGAAGGAGTTGCTAATGTCAGTGGCCTCCTTGGAGTTCTCCAG  
TGGTAAAGCAGAAATAGCGGATGTGTCAAATGTGTTGGGGATGCTTTTTTAGTGACCGTCCGCAACAAGAA  
ACGTGTTGGTTATACTTATGAATTGACATTGAAAATTAAGGTGAGTGGACTCTAAACAGGAGAAGAAGAT  
CGTGAAGGGGCATATAGATGTCCCAGAATTCTTTTCGGTGAGCTAGATGACTTGCAGATGGACGTGAGACT  
GAGCGAAGAGAAAGATCTTCTGGGTGAGGATAAGTTTCAGATTTGCCAAGATTTGAAGCGATTTTGCAGCCT  
GTTCTGTGAAAAGTTGCTCCAATTCGAACAGGAACCTCAAAGAAAGATAATAAGAAAAGGTTAATTCTCAACATT  
AATATGTACCAATTGTTATTGTACTCAAAGGTTGATTGGCAAGGATGTCTTATTGGATACCCTTTCAAGGATC  
ATAAATTATTTGAACAAAGACCATATTTTAGGGCCTTTGAGATGATAAAATTGTTATGCAACTTAATAACTTAA  
TTGTTCGGGAA

>trans\_c\_1814 NM\_00112290|Zea mays protein disulfide isomerase (PDIL5-1),  
mRNA gb|AY739291.1| Zea mays protein disulfide isomerase (PDIL5-1) mRNA, complete cds

AAAGAGAGCAAATATAGAAAAAGAAAAATCATCATTTTGGACGGGTAATTTATTTGGTCAAATATCGGGAATT  
TGCCGCATCCTTTTCCCAACGTTTTCCAGATCGACCGAGTTTTCTTTCTCATTTCAATTGTATAATGCGAACTCC  
GGCCACCGAGGCTGTTCTTTTCTTTTGAATACAATTCACAGCAAAAGAGATATTCGGGAGACTTCATTCAA  
TCATGAGATTCCATATCTCATCTCCAATTTTCCCTTTTGTTCATCTCTTCTTCTTCTGAACACAGCATCCCTC  
CACAGAGCTGAAGTTTTAACCCTAACTGCCGACACCTTCTCCGATAAGATAAAGGAAAAGGATACTGTATGGT  
TTGTGAAATTTTGTGTTCTTGGTGCAAGCACTGCAAGAATTTAGGATCATTATGGGAGGACCTGGGGAAGGC  
AATGGAAGGTGAGGATGAAATCGAGGTTGGAGAAGTTGATTGTGGTTCTAACAACCAGTTTGTCTAAAGT  
TGATATTCATTCATATCTACATTTAAGCTTTTCTATGAAGGTGAAGAAGTTGCAAAGTATAAAGGGCCAGAG  
ATGTTGAATCTCTCAGAATCTTTGCTCTTGAAGAATCTGAAAAGGCAGCAGCAAAAGCAGAAGAGGACAGTG  
ACAAAGAATTGTGATGATAGTGTGGACTATATACACTTGATGCTCTTGGCATCCAGAAACAATCAATCTAGTT  
GTTCTGTGAAGTAGACCATTGATCATCATGGTCCTATTTGCACTATGATTAGAATGCTTAAATTTGGATAGAGAT  
TTGGACCATGATCTCGGTGACATTGTTTGGCCCCCTCTGTTTAGACTTCTTTTCTGACGTTTATTGTCTGGCT  
GCCTTTTGGGTGGGATATGCCAAAGAGAGGTAACAAATATGGGAAGTAGAGAATTTGTACTTAATAGTTTG  
ATTATATATATACCTTAACTTACATTATATGCAGACTATTTATTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_1815 XM\_002881351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At2g35450, mRNA

ACCATTATCTAAAATGGTAGTGGCGGCGAGGCTCAAACCTCTTTCACTCCCTTCTTCTCTCCCTCTCTTCATTTCCCTCGTTGCCATTCCCATCTTCCGCAACAATATTTGCATCTCAATCCATCAACACTAACCCCTAGTTTCAAGCTCAAATGGCTTCTTCTTCTTCATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTATGGCAAAGTCATCGATTACATCTCCACGTCTGGGCATCTCCTGAAGAGGCTGCTGCAAAATACCCCTTACTTTCCAGGCCAAGAACCCACCTTGACTGGGCATGTTGATTCTTGCTTCAGTCTATGGAAGAAGCAGGAGTAGATGGTGCACTTATTGTCCAGCCAATCAACCACAAATTTGATCACTCTTATGTGACCAGTGTAATAAAATAAATATCCAAACAAATTCGTTGGGTGTTGCCTAGCAAATCCAGCCAAAGATGGAAGTGGAATTCAGCAGCTCGAACATCTTGTAAACAAAGGATGGATACTCCGCTGTTTCGCTTTAATCCATACTTATGGCCGTCAAGGTCAAAAGATGACAAATGAGGTGGGGAAAGCATTATTCTCTACAGCAGGAAAACCTTGGGATTCTGTGGGTTTCATGTGCATGAAGGGGCTAAGCCTTCATGTGCAAGAGATAAAAGAGCTTTGTACAGAGTTCCTTCAACCACTGTACTGCTTGATCACTTGGGTTTTTGAAACCCCCAGAAAA TGAAGAAGATAGTCTTGCACTGTCCACCTTTTGGAGCTAGCAAGTTTTCCCAGATATATGTGAAATTCAGTGCACTATTTAGGGTCTCAAGAAGGCCATTTCCGTA CTGGATTGACCCGCTCCTCTCTCAGATTGTCTCAAGCTTGGAGCAAACCGCATCATGTAGGGAAGCGACTTCCCATTCGTTGTTCTTGAATGCGGATATAACGGAGCAATTGATGCAGTAACATTAATAGCCAATGAAATATCTTTCTTCTGGCGAGTTGGAGTGGATTAAAGGCCAAAAC TG

>trans\_c\_1816 DQ118095|Vitis vinifera AlaT1 mRNA, complete cds

CAAGGAACTGCAACTTATTTCTTTCCATACTGTGTGCGAAAGGATATTGGGGAGAATGTGGACAGCGAGGTGGATACTTTGAGATGACCAACATTCTCCAAGGGTTTGATTACATCATAAGTTAATTGTTCAATTCTATAAGTTCTTTTCAGCGTTTTTATAATACTCATGTAACTTCGATCTCATCCGATGCTGCAGACGGTCGATGAAATTTATAAGGTTGCATCTATATCACTCAGCCCAAACGTTCTGCTCAGATATTTATGGGGTTGATGGTCAACCCACCTAAGCCTGGTGACATTTCATATGATCAGTTTATTAGGGAAAGCAAGGGGATCCTTGAATCTCTGAGGAGAAGAGCAAGAATAATGACTGATGGATTCAATAGCTGCAGAAATGTGATCTGCAATTTACAGAAAGGTGCCATGTATTCTTTCCACAAATTCGCTCCCCGCCCAAAGCCATTGAGGCTGCTAAAAAGTTAGGAAAAGTGCCTGATGTTTTCTACTGTCTCAAGCTCTTGGAAGCCACTGGAATCTCCACTGTTCCAGGTTCAAGGCTTTGGGCAGAAAGAAGGGGTGTTCCATTTGAGGACAACCATCTTGCTGCTGAGGAAGACATGCCTGAAATCATGGCAAGTTTCAAGAAGTTCAACGATTTCATTGAGGAGGAATATGAAGACCATAGGGATTATTCAAGAACGTGATCAGGCGGCTTCCATGTGTGCGATTGAATTCACGATATAATTACTGTAAAGCTTTGGCAAGCATACATATCTAACCTTATTATAAGAACTCTATTGTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATTAACCCCCACAACCCCGGGGGGGGGCCCGAACCCTTCCCCCAAGGGGGGTGAAATCCCCCTCCCCGGGCCCCCTTTTAAAAACCCGG

>trans\_c\_1817 XM\_002867099|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase, mRNA

GTGATTCCATCAAAGGATAGAAACATGAAAGCCAAAAGCGGAAAAAGTAATTGGAGCTTGAGATCGAAGCTAGGTTTGCCGGCACTGATCTTCGTTTTATGCCTTTTTTGTTTCCTTGCTGCATTCTTCGGTTCCTTCTTCTCTCA GGATGTAGATGACGATAGGCCGAGGTCGAGGTTGCTTCAATCGGCAAGCGATGGTACCGAGTTTGATTGATGTCTTCGGGAGAAAACGGCGACGACTCCATTTCTTCGATTCTTTTCAGGTTTTGAGCTGGCGACCTCGCGCAC TCTATTTCCCCAAGTTTGCAACTGCGGAGCAATGTCAGAGCATAGTTAATATGGCCAAACCGAAGCTTAGACC GTCCACATTGGCTCTACGTAAGGGAGAAACCGCAGAGAACACGAAGGGAATCCGAACAAGTTCCGGAGTGTTCTTTAGTGCTTCAGAAGATGAGAGTGGGATTCTGGGTGTAATTGAGGAAAAAATTGCAAGGGCAACTATGAT TCCAAGGACGCATGGAGAGGCATATAATATTTGCGTTATGAGATTGGGCAGAAAGTATAATTCTCATTAAAGATGCGTTCAAGCCTTCTGAATATGGGCCACAGAAGAGCCAAAGGGTGGCTTCTTTCTTGTTGTACTTGACTGATG TTGAAGAGGGTGGAGAAACCATGTTTTATTGCGAGAATGGCTCGAATATGGATGGAACCTATAATTACCAAGC

ATGTGTTGGTTTGAAAGTGAAGCAACGTCAAGGTGATGGACTTCTGTTTAAATCTGTTTTCCCAAATGGTACAA  
TTGATCCGACATCACTTCATGGAAGCTGCCCCGGTGATCAAAGGGCAGAAATGGGTGCGGACCAAATGGATCA  
GAGATCAAACACAGGACGATTATTCCTAAACGCAATTCATAATCCATAAATTTCTACCTCATATTTCTCTGTA  
TGATAGAATGAGTTCAAATATTATACAATATTTGATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1818 NM\_001061693 | *Oryza sativa* Japonica Group Os05g0310600 (Os05g0310600)  
mRNA, complete cds

TCTGAGGGGGTTTAAGCTTTCTGCTCTTCTTCATCTCTCTCCCTAAGAATTTCTTATCATATTTAAATGGAATCG  
TAATCCGTGTGATTTTTCTTCATAGTCCCGTAAGATGGGAGTGCTGTCCAATAAGATTTCAAGGGAGGAATTG  
AAACCGGGGGATCACATCTATTCTTGAGGCAGGCCTATATTTATGCTCATCACGGGATTTTTATTGGTGATG  
GAAAAGTGATCCACTTCACTCGGGGAGGAGGCCTGGAGATCGGCTCAGGAACGGTATTAGACCGATTCCCTG  
TTAGTTCATCTCCTCACTCTCCAGACAATCCATGTCCTGTATGTGGTGATCAGTCATTTGGTGATGGCGTAATCT  
GTTCTGTGTTGGATTGTTTTCTTGGTGGTGGAGATCTTACATCTTTGAATATGGTGTACGCCTATGTTCTTTC  
TCGCGAAAGCCCGTGGCGGGACTTGCACTCTTGCTTCTTCTGATTTGTCTGAAGTTGTCCTACATCGCGCTTCTT  
TTCTCCTTCAAATGGATTGGTATGTACAACATCTTCAAGAACAACTGTGAAGACTTTGCCATCTATTGTA  
ACAGGATTGCTTGTGTTACACGACCCTCAGCGTTGGTAGGAGCGGACAGGCTGCATCATTCCTTGAGCCACGA  
GTGCGATTGTCTCTTCACCACTTCGATATTTAACCACAAGTTGTAGCGGTCTAGCGCTTGTGGGTGTGGGCAC  
GTATTGTGTTAGTCGACTTGTCTTGACATTGGAGTGCGTCGTGATGTCGTTAAATCCCGGTCGAGGAACCT  
GTGGCTAGAGCTAGCAGCAGCAATGCTCCAGAGGAGGCAACACTAACGGCCAAGGAACAATAGTGTTATTGT  
TGGCTTCGACTAAACCAAAGAATTGTCTTGAAAGTGTGAAAAACCAATTCTTAATTACTCCCTTGAATAATTG  
TATTGGAATTTGTATCCACATTGTTGAACTAACTTTGGTTATGTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1819 XM\_002308681 | *Populus trichocarpa* f-box family protein, mRNA

AGAAGGAAGAAGATATATATTATCTACCCCTTTATCCCTAAACGTTTAAATTTAAATTCAGTGTTATTATTCTTC  
AGTCTTTGAATTGATGGAAGAGGAAGAAAAGGGTGAAGAAATTTCTGATTTCTCTTCGCTGCCAGAAGGAGT  
CGTCGCTAAATCTTGTGCTTCACTCCATCGGATGCCTGTAGATCGTCGGTGGTTTCCACGACTTTCTGTTG  
CGGCGGCGCAGTCGGACATCGTGTGGGACAGCTTCTGCCTACCGATTGGGAGATTTTGATTCTCGTCGGAA  
ACCTAGCAACCTCAACTTTGATCCTATTTGAGTTGGAAGAAGGAGATTTTTTCTCCCTTTCGATACCCCTTT  
GATAATTGACGACGGCAACAAGAGTTTTTCATTGGACAAATGGAGTGGTAAGAAATGCATAATGCTTGGAGC  
AAGGGAACCTTCAATTATTTGGAGTGATATGCCTACCTATTGGACTTGGGAACCTCATCCTGAGTCAAGGTTG  
CTGAGGTAGCAGTTCTTCTCAACGTTTGGTGGCTTGAATAAAAGGAAAGTTAAGCTGCAAAATGTTGAGTCC  
TGCAACAACCTATGCAGCTTATTTGTGTTAAGATGGATGAACGTAGGTATTATGGGTTTGATATAGTTGCTG  
CTGATGCAGCAGTGGCCATTGTTGATGGGGAATGTTGCTCAAGTAGAGTTTGTGTTGGACCTTTCTAGACATT  
GCTCCACCGAAGCGTCGACGTACACCGTGTGTTGAGAAGGAATCCACTTGGGAATAGCATGTCAAGGGCAAAA  
CAGCCACAAGAGAGGCATGATGGATGGTTTGAAGTTCGAGTTGGGAGAGCTTCANCATAATGGTGGAGATGA  
TGAAGTTGAGTTCTTTCTTAAGGAGGTTAATTGCAATTATTCTAAGAGCGGCCTAATCGTACAAGGAATAGAC  
ATTAGGCCTAAAATTAGTCGTGATCTTGCATAGATGAATTCTTGTCAGTTTTGTCAACCTAAGATTAGCTCCAT  
GTATAAGACAT

>trans\_c\_1820 X58542 | *C. sativus* hpr-A gene for NADH-dependent hydroxypyruvate reductase

CAGAGTTGGCAGCTTCACTTTCTTTCAGCTGCAAGAAGGATAGTTGAAGCAGATGAGTTCATGAGGGCAG  
GTCGATATGATGGATGGCTTCAAATTTGTTTGTGGAACTTGCTGAAAGGACAGACTGTTGGTGTGATTGG



AGCTGGTCGTATTGGATCTGCTTATGCAAGAATGATGGTAGAAGGGTTTAAGATGAACCTGATCTACTTTGAT  
CTTTACCAGTCGACTAGACTCGAAAAGTTCGTTACAGCCTATGGTGAGTTCCTGAAAGCCAACGGGGAGGCTC  
CTGTGACATGGAGAAGAGCATCATCAATGGATGAGGTGCTTCGAGAAGCAGATGTGATAAGTCTTCATCCAG  
TACTGGATAAAACTACCTTCCATCTTGTGAACAAAGAAAGTCTTAAAGCCATGAAGAAGGATGCAATCCTCAT  
TAACTGCAGTAGGGGACCTGTGATCGATGAAGCAGCCCTTGTGATCATTGAGAGAGAATCCCATGTTTCGA  
GTTGGCCTTGACGTTTTTGAGGATGAACCATACATGAAACCTGGACTTGCTGATATGAAGAACGCAATCATTG  
TTCCTCACATTGCTTCTGCTTCCAAGTGGACTCGCGAAGGAATGGCAACACTGGCTGCTCTTAATGTCTTGGGA  
AAGATTAAAGGATATCCTGTTTGGTCCGATCCAAACCGAGTAGAACCGTTCCTCGACGAGAACGTTTCACCTC  
CAGCTGCATCTCCTAGCATTGTGAATGCCAAAGCCTTGGGTAACGCCTAACAGAAACCTCCCTAACTGAAAAG  
AATTGCCTACTTCAAAGCTGTGAAGCAGGAGGGTATGGCTAANAAATGTTTGAGCAGAAAATTGGAAGCATT  
TAGATATGGGGGTTAATGGAGGTTGTATTCATGAATGTACAACTCTGGTCAATTGATTATAATGTGTATCTAT  
CTTCTTCGTGAAATGCAGTCCGTTACTTGGTTTATCACAATCGAATATATTAATTTAGTCGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1821 NM\_001068200|Oryza sativa Japonica Group Os08g0374200 (Os08g0374200)  
mRNA, complete cds

ACCCAAGTCTTCCCTTCCTTCGGCGGCAAGGAATTTGACTCTCCCGCGCGGCTCATAGAACTTCTAATCTTTTTC  
GTTTAGGATCTCCCTAATTTCTTGCCCTAATTCTTCCCGTTGTTTCTTCGATCAGTTTTCCAGCCGGCGAATTAT  
CTCCTCTTCAAGAGATGGCCGCTAAACCACTTACAACCTGAGGCAATTGCCATAACTGAGAAGAAGATGGACAT  
GGCTTTAGACGACATCATTTAAATGTCAAAAAATACGGGAAATAAAGGCAGGAAACAGAGAAGGTTACCGAA  
CAAAATGCAGAAGTTTCAAATAATGCTACTCAAGATAGACCTAGGAAGTTGCAGCGATTTCATGGACTCTAGA  
TCTTCTCTGAGACAGGGGGCTTTGGCCAACAGAAGGTCAAACCTTCAAGGGAATCAGTTTGCTTTGGCAACTG  
AGGTTGCAAGAAAGGCTGCAGTTGCTCCTATTCTGCTCTAGAGCTTTTACTCGTAGGGCACCCAATTGGAATAA  
AACAAGGGTTGATGCTCCTCCACCGTTCCGAAGAAGTCTTTCACCAATGGAAATTTTGTTCCTCAAGGTATCCG  
CACCGGCCAGCAGCAAAACAAATGCCACGCCAAGACAGAGGCCACAGACTCTAGACTCACTGTTTGCCAACAT  
GAAGGAACAGAGGCTGAGAGTGTTATCACAGAGACAAAATGGGGGCGGCGGCGGCACAAACAACCGG  
AATGGTGGTCGACAGCAAAGACCTCCTTGGGGGAAGAGGCCGTTTTGGTAACTGAAGAATACACAACCTCAAA  
ACTGGTGCTATGAATAGCATATTTGTCCATGGCACCCGATAGCTGCTGATAGGGATCAAGAGGAATGTGATTG  
TTTCTGTCTTTTTTTTTTAAAAAATTCAAACCTCGCTGGCTTGCTACTTTTAGCTTTTCTAGCTTCGCTTTGAAC  
CGAATACTATAGGAATTTGATGCAATTTATGTAAAGTGTTCTCTCTTTTCTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_1822 AY128277|Arabidopsis thaliana At1g45261/F2G19.1 mRNA, complete cds

AATGTGAGCGACCGTTAACAGTTCCTTCTCCTCCGTTTTCTCAAAGAATTGGGAGAAAAGCCATGCTCCGAAAT  
CGCACACTACCATTTTATTCTCGATAGTTGCAATTTCAAGCTCCTTGTCTCAATTGATCAAGGGCATGGCCATG  
GCGTCCATTTTGACACTACTGCCATTTCCGCCCTTTCACTCTCTAAATCCAACTTCTTCAACTCTTACCACCTGA  
TCTTATGTTTTCTACACACCCAATCAATTCGTTTCACCCATCTACTCGTGCCCTCAAACTGGCCCTGAAGGCA  
GTAGAATTCGAAGCCATCAAGAATATAGTTCCGATTTGCTGCGGAAACCGGTTGTTCCACCGGCGAAGGATTT  
GGCTGGACCATCGGAGGATGACGACAGCAGTGAGGAGAGTGGAATGACGAGGAGGAGGAAGTGGATTGG  
GTTGATTGGGAGGACAAGATTTTGGAGGATACTGTTCTCTGGTTGGCTTTGTTAGGATGGTTCTTCACACTG  
GAAAATATGAAAGTGGGGATAGGTTGAGACCAGAACACGAGAAAACAATTCTTGAGAGGTTGCTTCCATATC  
ATCCCGAGAGTGAGAAGAAGATTGGATGTGGGGTTGATTATATCACGGTTGGATATCATCCTGATTTTGAAAG  
CTCAAGATGTTTATTCATAGTCAGAAAAGATGGAGAGTTGGTTGACTTTTCATATTGGAAGTGCATCAAGGGT  
CTGATCAGAAAGAACTATCCTCTTACGCAGAAAGCTTCATTCTTAGGCATTTCCGGCGACGTAGACGCAATTT

GCGTCGGTAACACCTGTAAGATCTGTTAATCATACTCTTGTATCATTCAATTCAGGAATTCTTTGAATATCAAA  
GCCTGAGATTGACCAACCACGCTTGTGTGGTTCTTGTGTTTAATGACTTGAAATTAGCAAATCAAGATGGAT  
ATGGGGTGAATGTAGACTCTTGCTTAGTAAAATTCAATTTTGTAATTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1823 NM\_105934|Arabidopsis thaliana ATTIM23-2; P-P-bond-hydrolysis-driven protein  
transmembrane transporter/ protein transporter (ATTIM23-2) mRNA, complete cds

ATCTCTCTCTCCGCTTCAATTCTTTCTCTCTTGGAGAGAATTGAGCGTAACCCTAAGCTTAGAACTCAAATCA  
ACTATGGCGGTCCATTCTTCCAATCGCGATACTGATTACAGAGTTTGATCATAGCTCATCCCAACCGCGTCTTTAC  
AATCCTTACAAGGATCTCCAGGTTCCATATCGAACTCCAGCTTCCAACCTCCCAGAGTTTCTTTTCGATGAA  
GAAGCTCGCCGCCAGCGTCGATCTTGGGGCGAGAATCTCACCTTCTACACTGGTTGCGGTTACCTCGCCGGTG  
CAGTCGGAGGCGCTTCTACAGGACTTGTATCCGGTGTTAAATCTTTGAATCAGGTGATACTATGAACTCCG  
GATCAATCGGATCCTGAACTCATCTGGTCATTACAGGGCGTCTCTGGGGAAATCGGCTTGGCGTGATTGGGCTG  
CTATATGCTGGTTTGGAGAGCGGAATTGAGGCTGTGAGGGATACGGACGATGTCTGGAATGTGTTGCGGCC  
GGGCTTGGTACTGGTGCGCTTTATCGTGCAGCAAGAGGGGTAAGATCGGCGGCGGTGGCCGGAGCTGTTGG  
CGGTGTCGTGGTTGGCTTGGCGGTGACGGGTAAGCAGATGTTGAAGCGGTATGTGCCGATATGATGTGGGG  
AAATGGAATGTTTTCTTTGAAATTTGATCGATATACTTCGTGTTAGGGAGTCATAGTCATAGTTTTATATGG  
GAACTGTGATGAGAATGTTGAGGATTGAATTAATAATTCACTTGATATTTTCTATACGAGTTTAACTCGTGC  
TTCTTCATTGAGTGATGTAATTCGTCGAGTTCTCTGATAATGAATAATCTTCAAGAATTTAGACTTGTGGTATG  
GGAATGATCAAATTATTTCCATTACTTCTGATGATTTGGTTGTAAGTAATGAGATTATTTGAGGTTTGTTCGTTG  
TCTTATTTGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1824 NM\_127289|Arabidopsis thaliana pantothenate kinase-related (AT2G17340) mRNA,  
complete cds

TTCGGGAGCAAGTACTTAGGGAATTGGGATTCAGAGATATATTCAAGAGAGTGAAGGATGAAGAGAATGCA  
AAGGCTATAACCTTATTTGCTGACGTTATTCGTCTCAATGATGCCATTGAAGACGATAGTAAGCGTTTGGAGA  
ATCTAGTTAGAGGAATATTTGCTGGGAACATTTTTGATCTTGGTTCGGCTCAGCTAGCTGAAGTTTTCTCAATG  
GATGGTATGTCTTTCTTAGCGAGTTGTCAAATCTTGTTCCTCGTCCTTGGGTAATCGATGATTTGGACACCTTC  
AAACTAAAATGGAGTAAAAGTCATGGAAGAAGGCTGTAATATTTGTTGATAACTCCGGTGACGATATTATTT  
TGGGCATTTTGCCATTTGCTAGAGAGTTACTCCGGCGCGGAATCAGGTTGTCTTAGCGGCTAATGACTTGCC  
CTCAATTAATGATGTAACCTTATAATGAACTAATTGAAATTTTATCAAAGCTGAAGGATGACCATGGACAACCTA  
TGGGGGTCGATACTTCTAACCTTTAGTTGCTAATTCTGGCAATGATTTGCCTGTCTTACCTTATTCGAGTAT  
CCCAGGAGCTTAGCTACCTGGCAGCTGATGCGGATCTAGTTGTCTTGAAGGAATGGGTCGTGGAATAGAAA  
CAAATCTTTATGCTCAATTTAAGTGTGATTCATAAAGATTGGCATGGTAAAGCATCTGGAGGTTGCAGAGTTT  
CATGGAGGAAGACTTTACGATTGTGTCTTCAAGTACAACGAAGTTTCTAGTTGATGACATCCTTTGGTACCTCT  
GCCCTCATTTTTTAATATCATTAAATATTTGATCATCGTAGGATAGGTTCCGTCTGTTGCTTTAAAATACCTA  
GCTTTATTTATGTGAATGAACTTGAGTAGGTGTTTCCATTCCGTGATTATGAAGAGACGTGAAAGATATATTTT  
TATATATTAGAAATTAGGAAAATAATAATAAAAACATTCTGGAGAATTGTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_1825 NM\_001073019|Oryza sativa Japonica Group Os12g0244200 (Os12g0244200)  
mRNA, complete cds

CCTTAAGCCCACTACCAAGTACCAGCCACCTTCATCTCCATTCCCCATCCCTCCATCTCTTTCATCTCGCATTTCT  
CCTCTCGCATATCCTCTTTTGTTCCTCTTCTTCATCTCTTCGATCTCCACCGCCACGCCGGCCAATATCAATCA  
TCTCCTCTTCTTCATCTCTCAGGACACTTCCCAATATCAATCCTTCCCAACATCAATCCCAAATCAAAGTAGCAC  
AAGGCATGAAGTTGAAGAAATGAAAAATTGAAAGATCATAAAATTTCAATCTTACGAAGTTGAAGAGGAAAG  
GGGAAAACTCTAGCAGGCGTAGGAGAGCTGACTACGGAGGCAGGCGAGAGAAAAAGAAAAAATGGGTT  
TGAGCCAAATTAGATTTTTTAGAAGGAACATTATTGTCAGTAGCAAAGATCTAATACAAGTACGTCGGTACG  
ATCATTTGCTGCCGGGGGAAAATCAAAGAAGGGATCTAAAGGGGGTGCAGCTGCTGATGCTCCTAAAGCATC  
AATTCTAAGTAAAGAGGTGAAGTCTACGACTGTAGTTGGTGCCAATATTCTCAAGGAAGGTGCAGATCCAAA  
AATTATGGCAGACTCAGAATACCCTGCTTGGCTGTGGCATTGCTTGATAAGCATCCACCTCTAAGTGAATTAC  
GAAGGAAGAATGCTGAAAGTCTTCTTATGCAGATCTCAGACGCTTTGTTAAATTGGATACTCGAGCAAGGAT  
CAAGGAAAACAATTCTATTAAGGCCAAGTAACAATATAGTAGAGGCAGACTTTGTTTTGTTTCTTTTGTAAAT  
GTAATGCAACTCTTTGTCTAACTTTGTATCAATGTGCAAGTCCCGACTTGCAATTCTCTCCCTTTAGTTACTGTCT  
GTTTTCCAAGTCCATTTTAATGTACTAATTTAGATGAAATTCGACAAGTTCGGCTTAATTTGAAAGCCAATCTT  
GTTATATTTCTTTGCTTTTGCAGTAAAAATGAGAGTTGGGAGAGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1826 NM\_001036307|Arabidopsis thaliana ubiquitin fusion degradation UFD1 family  
protein (AT2G21270) mRNA, complete cds

CTAATCATATAAGTTTATATTTCAATTTAAATTTCTATCAGAAACAATAAATATAGAAATTGTTTGAGATAAAGA  
AAAGAAAAATGAACTAACAAATAAATAACAATAAGAAAAACAAATCTCAGCCATTTTGACGGATTGGATAT  
ATATTGGCTTTGCTTTCTCTACTCCAATTTCTCTCGTCGGAGTTTCCACAAGTCGGTCTCACCTTCTCTCAT  
TTACGCCATTAAAGGTTTCGGGGTTTTGGGTGATACTCTGCAAGTTTCTGCACTATGTTCTTCGATGGGTATGGA  
TATCATGGGACTTCATTTGAGCAGACATATCGGTGCTATCCTGCATCTTTATTGAAAAGCCACAAGTTGAAAC  
TGGTGACAAAATCATAATGCCACCATCAGCCCTTGATCGCCTTGCACTTTTACATATCGATTATCCAATGTTGTT  
TGAGCTTCGGAATGATGTTACTGAACGACTTTCCCACTGTGGTGTTCTCGAGTTCATTGCTGAAGAGGGAATG  
ATCTATATGCCTTATTGGATGATGGAGAATATGCTTTTACAGGAGGGAGACGTTGTGAGAGTGAAGAATGTTA  
CACTGCCGAAGGGAAGTTATGTTAAATTACAACCTCACACAAAGGACTTCTTGATATATCCAATCCAAAAGCC  
ATCTTGAGACGACTTTGAGAAATTTTTCATGCCTGACAACCGGAGACAGTATCATGGTGGCATAACAACA  
AGAAATATTACATCGATATAATTGAACTAAGCCTTCAAATGCAATAAGTATAATTGAGACTGATTGTGAAGT  
GGACTTCGCACCCCTTTGGATTACAAGGAACCTGAAAAGCCTGTTCCATCCCTCCCAACAGGCAAGGCTCCA  
GTCCAAGAGGAGGAACCACTGCAGAAGCTGAACCCAAATTCAATCCCTTCACTGGAGTTGGGAGGCGTTTG  
GATGGGAAACCATCTGCGCAACAGCCACCACTATCTTGACTTCAATATCCAAAGACAAGCAAGTTGATACAA  
GAACT

>trans\_c\_1827 NM\_120352|Arabidopsis thaliana nucleotide binding (AT5G02740) mRNA, complete  
cds

GGACCCATAAACTCTTCTTCAACCTTTCAACTCGTCTCCTTCTTCGCGAAAAATGTCGAACCTCAGTCTCCTCCG  
TAAGGCTCTTGATCAAATTTCAATTTCTCGACCGGCGACGTCAAATCATGAAGTTCTCTGTTTTTCCGCCAATC  
TCCAAGATTCTTCTCCACGGAACGGGAACAACCCCACTGAGTCTCCCAATCGTTTTTCCGATAAATCAA  
ATACAGATGGTTTTATGTATGAAAAATTGTTGCGTTTCTCACGGAGTACTCTAAAAACGGATGTGCTCATTTTG  
CTTGAAGGATGTAATTTGAGTTTGGATGATATCAAATTTGAATACAGTCGAAATTTCTCCAGTCTCTATGAT  
GATCCAGTTCCTCCAGCAGGCCTATCAACATGCTTTTCAAGCGATTGCAAGAAAAGGTTTCTTGACAGAT  
TGGAGCGGGCTGATCGTTCACAGTGGGAGCTGCTTTCACCTTACAATGGAAAACTGTCTTTCTGCAAGGAAT  
ACCTCGAAATGCATTGGTAGAAGATGTGGAGCGCTTCTATCTGGCTGTGACTATGATGCAAGCTCAATCAAC

ATTACAGGGGATCCTTTTCAGAGCCCACAAAAATGGCAACGGTGCAGTTCCTTTCACCAATACAAGCAATGC  
ATGCATTTCTCACAAGAAGCAGAGGCTTTTGTCTGAACAACCAATTTCTATGCAAGTTCTCCAATAACTAGCA  
ACTCTTATCATATCCTGACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGGCTCAGTGGCTGAGATTTTGCAGTAGGTCTTATAA  
GTTATGATTTACAACCTTCGTATCTAAGTCTCCAGTAGGTTATCCACATTCAAAGTGACCTGAAATCTTTCATTCC  
TCACTTATTAGCAGTTTGTGCTAAAGAATCTGCTTTGTAAGGTAGGGGTTTCTGAACCTTGAATATTGA  
ATTTATATGAATAATATAAGGTTGTCCAAGCTTCTAGTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1828 AJ457975|Lycopersicon esculentum mRNA for beta 1,3-glycosyltransferase-like  
protein I

AATAATTGCTAGATTTGTCATTGGAAGAAGTCCAAACCGTGGGGACAGTTTAGACAGGGCCATTGACGATGA  
AAATGGACAATATAATGATTTTATTATACATAATGATCATGTGGAGGCACCTGAGGAGCTTCAAAGAAGGCC  
AAGCTTTTTTTTGTCTTATGCTGTTGATAAATGGAATGCTGAATTTATGCCAAAGTCAACGACTATGTTTATATA  
AACATTGATGCCCTAGGGAGCACACTTGCCTCTTACTTGGACAAACCTCGTGTCTATGTTGGGTGCATGAAATC  
TGGTGAAGTATTCTCAGAACCAGGCCATAAATGGTACGAACCAGATTGGTGGAAATTTGGTGATAAAAAAAC  
ATACTTCCGTCATGCTTCTGGCGAAATGTATGTCATATCTAAAGCCCTGGCCAAGTTTATTCAATAAACCGATC  
TCTTCTCCGTTCTTACGCTCATGACGATGTCACGGCTGGTTTCTGGTTTATCGGGCTTGATGTCACATACATTGA  
CGAGGGAAAGTTTTGTTGCTCTTCTGGTCTGCAGGAGCCATTTGCGCTGGTGTCTGATTGATTGCTTGAAGA  
TCCTTGATGGGAAAAGCGGAAATACCAGCTTGAAGAGAACACATAACTAATTTATCTTTTTGAAGTCCTCGT  
GTGTGGCTAGACGAAAGGCAAGAAAGCTTGGCATACTTCTGGTTTCTTACTTAACGCTGAGTTCTGGAGAGAC  
TGGCTTGAGGTTCAACAGTTTGTAAAGATGTGCAACACAGAAAGATCAACAATTGAAGGGGAACTTAACCTCA  
TTCTTTGGACTTCACCTCATCTTACTGACGTTCTTATATGTGATTTTGTGTTTATTTAGCTCCGGATGTATGTTA  
ATTCTTTCAGGCGAGTTGGACCTTCGAGAAATATGTAGATTTAAAGGCACAGTTTTATGAAGCACCTATTATCG  
ACGATAACTCTCTCAAAAAAAAAAGTAAACCCTCCCGGCTGTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_1829 DQ924970|Capsicum annuum ubiquitin-conjugating enzyme (E2) mRNA, complete  
cds

AGCGTAACAAAAAGCAAAATAAAAAATTCGTCGATTCTACCAGAGTCCAATCGAAGCCTAACTTTTTATTGTT  
GACCTCCGTAGGGCTCACCCACGCTCGCCAAACCGCCACCTTCTCTCTCCCTCTCCATTTCCATTCTCTTTCAC  
GCCTCTGCAACTCAGACCTATCTCCTCTCTCCTCTTCACAGGAGATATGATTAAGCTATTTAAAGTCAAGGAGA  
AGCAGAGAGAACTTGCTGAAAATGCTAGTAATGGGGTACCTACAAAGAAGCAAAGTGCTGGGGAACTGCGT  
CTTCATAAAGATATTAGTGAGCTGAATCTACCAAAATCGTGTAACATAACCTTTCCCAATGGCAAGGATGACCT  
CATGAACTTTGAGGTGTCAATACGACCTGACGAGGGATATTATTTAGGAGGCACGTTTTATTTCTCCTTTACAG  
TTTCCCCATCTATCCGCATGAAGCACCGAAAGTCAAGTGCAAGACAAAGTTTACCATCCAAATATTGACTTG  
GAAGGAAATGTGTGCCTCAACATTTTACGGGAAGATTGGAAGCCTGTTCTCAATATTAACACTGTTATTTATGG  
ACTCTACCATTTGTTACGGAACCAAAATGATGAAGACCCACTGAATCATGAAGCTGCTGCAGTTCTAAGAGAC  
AACCCGAAGTTGTTTGAATCTAATGTGAGAAGGGCTATGGCTGGGGGTATGTGGGGCAGACCTTTTTTCGCA  
CGATGTATGTAACCTCACTCTTTATCCTTCACGTTCTCTTTTCTGCGCTGTATGTAGCTAGCTTTTGTCTCTTGG  
TACATTAAGTGCTTATTTAGAAATATCCCATCCATTACCTACGTTTGTGTTAGCCCAATGAACTTAGTGATT  
AATGTGTATCATTTCTATATTGTCAATTAACATGGTTATATTTTCTCAATATTTTGGATGGAAGCCATGGCAAT  
AGGGGCTGGCATAGTCTTTCAATCCTGATTTTGTGTTAGAGAACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1830 XM\_002311420|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription  
factor (ERF79), mRNA

AAACGAATCGTTCGAGAAATCCACCTTCCCCTTTTCCCTTCTCATTCTCGAAATCAATGGATGTAAC TACAAGC  
ACTCCGAGCTCTTCCCAAGATAGCAACAATGGCGGCAAAAACCTAGAGCTGAAGAAGAAAAGGGTTTTAGGT  
ACAAAAACCCCTTTCCACAAGAAGATCCGCCTCTCAATACAGAGGAGTTCGTCAAAGAAAATGGGGCAAATGG  
GCCGCTGAAATCCGAGACCCTTTCAAAGGAGCACGCATTGGCTTGGAACCTACAACACAGCTGAAGAGGCCT  
CCCAAGCCTACGAATCTAAACGACTCGAATTCGAAACCGCCATGGCGGCCGCCCTAAAAGCAGCAGCAACAT  
AGTCATTACTTCTCATCTTCTTCTCGGAGGAAAACGAGGAAGAATCCGACAGCGTCGTCTCACAAACATTCC  
CAGCCGCCGCCATTATTGAAATGGAAACATCTTCTCTGCTTTGATCAAAGAAGATGAAGAGGAAGTGATTGA  
CACGAATTTGATTAAACGAACCTCAAGTCCCGATTGGGGTTTGTGGATGAAGGTATGGAAATCAATTTAGGG  
CTACCGGAGCTTGACCAGTTTTTCATGGACGACATTGGTCAATTCTTGGACGATTTCTCTGCCATGGATGACAT  
TCAAATTTATGGATTGATGACGATGTACCCAGTTGTCTCCAGATTGTGATTTGATGATTTTGGAAACGATG  
ATATTTCTTGTGGGTGGATGAAGCTCTGAATGTGCCTTGCTCATGAGAAAGTTTTGCAGATTAGAGTTGAAG  
AAAGAAAGAAAGAAAACAGGGTTTAATGTTTTTAATTTATTTGTTGTTATTATGATGTTGATGATGAGTTTTT  
TTGTTTTGTTTTGTTTTGTTGGGGTTCTGGCAAAGACTTTGATTTTCTCGGAAGATGTTAAAGATTTTCC  
GGGATTTTTTTTTTGATGGAGAGACGAGATTCATATCTTTGGGTTTCTTGTGCTTTGAGAGCCGTCCAACG  
ATATGA

>trans\_c\_1831 BT025733|*Arabidopsis thaliana* At3g02555 mRNA, complete cds

GCTCTTCCCCTCTTCTCCATTTCTTCAACTCTCTCTCTCTCTAAACCCACTCGAACTCTAATTTCTCTGCTTCT  
CTCTTCTCTCCTTTTCCCTCCTTCTGAACCTCCTTTCTGCGGAGGAGCTCCCCATTTAGATCTTTAAATTTGTA  
AGGAGGAAATATCAGAGAGAATGAGCAGGTGGGTTTATGAGCAGAACGCCATGGCTGCCTGCCAAGAGATG  
AGGATGGAATCTGTGGTTTGTCAAAGCCACGTCGTTTGGTTTTTCAAACCTTCTGATAATGATCCCATCAC  
AGCTTATAGATGGCCCGTCAGCCATCCAATACTGGAAATTCAAGAGCAGGAGCTGAGTTTCTAGATATGATC  
CTCACTAAGGAAAGTTATGGTGAAAATTTAGCCACCAGTTAGCAACTTCTCCACCATTCTTTGGGGGTCTCC  
ACCAAGTAGAGCTTCAACCTTTAGTTCAAGATGAGCAATTTGGCAATGGTAACAACACTATCTACCAACCAT  
GCGAAGGGCCACCATCTCCATCAACTCGTAAAGGAGGATGCGCCGAACAAAATTCGGGCATCGACCAGCAG  
CAGTACGAATTGAAGGATTCGACTGTCTTAACCGCGATGCCCGAACTGCAGCATTTCTGCTGTGGCTTAGAG  
ACCACATATATATAACCAAACGGGAAGGAGGAGGAGGAGGTAGCCATAGCCTAAGTTTTTTTTGAAGTGGG  
AGGAGATTTATGACAGAGAAATTGAATTTGAACTAAACTGATGTTTTTTTCTTTTCATCTTTTCATTAGTG  
TGTAAGTTGTACATAGAAGAGTCGATGAAATGGCATGATGGGGTTTGTCTTATCGAGTCCTTTTGTATTGT  
TGTTGTTTCATCAATCATCTCAAAGGAGATATCTCTGTAATTAAGGTGACTAATGATGTTTTGGACTATATCTA  
ATCAGAGGAAATAATGTAGAGAAAGGCAAAGATTAAGCCTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_1832 DQ279911|*Malus pumila* CXE carboxylesterase (CXE10) mRNA, complete cds

GGTGGAGGTGGAGGTGGAGGTGGAGGTGGAGCTGATTTTTTATTTATCCTCCTATCTGCTCAATCTCGGGA  
TCCGCCGTCGATGAAGGCCGCAAGCTTTCCGACGAAATCAACCGCGTCGTCTGACGTAGGGTTGAACAAATG  
AAAGACGTGGCCTTGGCCTTTCTGCTCCACCACCTCGACAGCGCCGCCCATCCCGATTTCTTCAAACACTCAC  
TGTAACCATCCTCTGTCTTTCAGAGAATCCTTCTCTGCCACATAAACCGCCACTCTCTCCGCCGCTAGCCCC  
CCAATTTGGTTCAAATCCGGGTTCAACCGGGTCACTAACCGCTAATCGTAGGACAAGCCAAATACCAC  
AATTTCTCAATAAACCATCTATCTCCGGCTTCAGCTTCTCTCGTCTCCGATCAATTTCTCTCCCAGAAATAAG  
GATGAATCAACATCAATCCCTTCAGATTCAACCGGCCACCCCTTCGATTCCGACCGGATCGCCATTTTATTA  
GCGATGTTGGCTCCAGCGCTATCTCCGGCGAAATAAACCGGTTCAAATCTGCAATTTCACTCAACCACTCCTC  
TGGCCCGGTTCCAGCCGAGTGGGCGGCAACCCATTTCAAAGCAGTCCAGCAATCTTCATAAGCGATCGGAAG  
TGGGTATTCCGGAGCTCGCCGGTACTCGACGGAGATAGCGATGACGTTGGCTTCAGCGACTAAGGAGTTGAG

ATGGTTGTGATAGGTAGGAGAGAATGCTGATTCGATGCAGAAGCCGCCGCGTAAAATAAATGAGAAGAG  
GAAGCTTGTGAGGTTCTGCGGTGGGTTTGGGCCTGTAAATCCGAGCAGAGACGGGGGTTTCGGGCGAGATG  
ATGATGTCCTTGGACTCAACGCCTGTAAAGGGTCAAGAGAGGGATCGATTAATTCATTGCCGACGAGTCTTT  
CGGTGCGACCGTCTTTATAAACGATAATCATAGGGGAAAAGTTGTGGGCAATTTCACTGGAAGCCATGGGAG  
AGAGTAGTGAT

>trans\_c\_1833 NM\_001057581|Oryza sativa Japonica Group Os03g0710000 (Os03g0710000)  
mRNA, complete cds

AAAAAGAAAGTCAACAACATTGGTTGTGTAACCTTCTCCTTCGATGTTCTTTTTCTGACTTTGTAAAGAATTAA  
TTAAGGAGGTTCTTCTCCTTTTTGTTTCTTCTTTGTTGTAAAGTGGAGAGATTATGGGTTTAAAAATTCGAATTA  
TCCTTATTTAATTTAGAAGCAAGAGAGTAAGTATGAGAAGAATTTTGAATCGTGTTGTGGGAAGAAGTTTCAG  
ATCCTCCGGTTTCAAACGTCTTGTCCAATCCTCTTCACTCGACTCCAATCCCTCACCGACCATCGTCGTCGCAG  
ATACTCCGAAGATCTCAACGACGTCCTTCTCTTCTTCAAGATGGACTTCACAACTTGCTCTCTCTCGCTGCGA  
GCAAATGATTAAACATCAAAATCTTTGGATGCTTATGGTTTGATTGAAGGATATCTCAATCTCTTAATGGAAA  
GGATCCAGCTCCTTGGACGTGCAAGAGAATGTCCAGATGAGTTGAAGGAGGCAGCGTCAAGTGTGGTATTTG  
CAGCTTCAAGATGGAAGGATTTTACCGAAGTTGGAGACATTAAATCAATATTTACTTCTCAATTTGGCAAAGAG  
TTCCTGCTCCTGCTGTTGAACTTCGCAACAACAATCGCGTAAATCAATCGATAATACAAAACTATCCACAAA  
GAAGCCAGATATGAAGAGTAAATGAATCTTCTTAACTCATTGCTTCTGATAAGGGCATTGTTGTGCAACTC  
AACGATCAGGGTGAACCATTCGGTTCGATTCAAAGTAGAAAACGAAGCAGGGAACAAATGAAGTTGTAATT  
GCAACCACAAGCTCCTATCAAACACGCAACTCCAGTCGCAAACTTAGACGTTGATATATTTGTATCTTTACTAT  
ACTTCATATGCAATATTAATACTCTATCTATTTTGTGGTTTCAACTTTTAATTTCTACGCATTTTTCGAAGAGTTC  
AATTCAATACTACTCGTTTGTTACTCGTGTGGATGATTATAAATTGCATTCTTATCGTTCGTAAATTTATA

>trans\_c\_1834 DQ091761|Medicago truncatula N-acylethanolamine amidohydrolase mRNA,  
complete cds

ATCTGATGATAATTTGAATATTTTGGGATCACTACGACTGGGAAAGTACTCCCCGTGGTTTAATGATGTGTATT  
CAACTGACATCTCTGAAAAAAGTGAGGACATTCTTCAACTGTTGACGAAAACATGTTGCGAAATTGTAGA  
AGTTGTTGTGCCTGAGCTGCTTGAATGCGCACTGCTCATCTTGTTGCTATTGGTTCTGAATTTCTTGCTTCAAT  
GAATCCTGATATCGAGGATGGGAATGGTAAAAGATTAACTTATGACAGTCGTACCAGTTTCGGCACTGTTTCGG  
TCATTCACTGCATCGGATTATGTGGCTGCACAGTGCCTTAGGCGGAGAATAATGCACCATCACATGGAAATTT  
TCAAGAAGATTGATGTTATTGTGACCCCGACAACCTGGCATGACTGCACCACTTATACCTCCCAGTGCTCATAAA  
TATGGCGAGACAGATATGCCGGTTACAGGTTATCTCATGCGGTTTCATTGCGGCCAATCTTATTGGACTCCC  
TGCCATTTCTGTCCCGATTGGTTACGATAAACAAGGACTCCCAATAGGCTTGCAACTGATTGGTCGTCCATGGG  
GTGAAGCTACGATATTACGTTTGGCTTCTGCAATAGAGGAATTATGTGGAAACCCCAAGAAGCCAATGTCATT  
TTACGATGTTCTAACAAGTTAAAGAACTAGAGGGAATAATGCAAGTGGTTTCAAACGCTATAGTCGATCCGA  
GAACTTTTGATGGTTTTGAAAGAAGAGAAATAAAAATGTTTTTCGCTTTATACACATGAGAAATTATGGAAAT  
GTAGTTTCCATATACTTATATGAACTACAAGATGGTTGTATCTCCGTTTGGAGAATGCACACGCGCGTGATTG  
TGTGAAAAAAAATACCCTTGATTATCAACCTCTTCTTACCGATAGAGTATTGAGAGAGCTAAGAATGTGAT  
CATTTACTTTTATATATTAATAATCAAAATCAAGAAATTTTCTTATTGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_1835 FJ851364|Populus tomentosa IAA-amino acid hydrolase (IAR3) mRNA, complete cds

AAGCTGATCCACTAGATTCACAGGTAGTAACGGTGGCCAAGTTCCAAGGAGTTGGTGCAATTAATGTAATTCC  
AGATTCTGTTACAATAGGAGGCACTTCCGAGCCTTCTTGAAGGATAGCATGGTTCAACTCAAGCAACGGATT

AAAGAGGTTATCACTGGACAAGCTATCGTGCATAGGTGCAATGCGACTGTCGACTTTTTGGAAAATGATAAAC  
CCATTTTCCCTCCAAGTGTGAATGATAAAGAGTTGCATGAACACTTCCAAAATGTTGCAGGAGATATGCTTGGC  
ATTGACAAGGTCAAGGAAATGCAACCAAGTTATGGGATCTGAAGATTCTTCATTTTACCAAGAGATGATCCAG  
GGTACTTCTTCTTCTTCTTGAATGGAGAATGAAACATCTGGTCACCTCGATTCCGTACATTCCCCTTACTTTCGTA  
TCAACGAAGACGCTCTCCCTTATGGTGCAGCTCTTCATGCATCATTGGCTACAAGGTATCTTCTTGAAGTCCAG  
ACAAAAGTTAATTCACCAGAAGAAAAACGTCACGATGAATTATAAGTTGCCTATCGACCTGCTCGATCATATG  
TTTGATCAGGTTGAAGGGGTATAAAACATAATCAAAATCTCATTGAGTTGCTACTTAATGTCAATCCCTTACC  
ACAACATCTGTATTCTGTTCTTTCCATTTAAGCTTCGCTTATTTTACCTACAAGAAATCAATCAGCCCAATGTT  
CCAAGAAAGTGAAGCATTTCACGTTCTTTTCTCGTGATAGATTTCTTTACAAATAACCATGATCATGGGCA  
CAAGAAGTCTTGATTACTCCAATTCCTGGAGCTAGATATTCAGTATGTAAATGAGATACCGTGAAGATTCACG  
TTTAAAAGATTTCTTCTGACTAACAAATTATGTTAATGTATTGGTTTTGAATGATTGGCGTCGATCTTGGTAAA  
GAATAATGATGTAAATGGGCGAAGTGAGTTTGCCTTCCAATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_1836 AF419596|Arabidopsis thaliana At1g54920/F14C21\_27 mRNA, complete cds

ATTTATAGGGTAGTTCAAGTGCTTAGAGCTTCATTTGACTTTACAAGCCATGGATACTATTAGGTCAGGTTGA  
TCCCAATAACTTGATTTCTCTTGCGAATGAATGCTCCAATATTTGGTTGAGTTCAGGACTTGTTGTAGCTCTCTG  
CAAGATAGATGGTCTATTGATTGCAAAGCATTATTGGATTGATCAATGCTATTGATAATCTTGATGAATGGG  
GTTTGAGAAAGCATGTTCTTGGGACAGCAACCTACTTGTAATCTATCGCTCTTGAGTGCTGAATCAATTCCA  
GGTATGGATTGGTGGTCTGGAATGGGGAGAAGTACTTTTTGAAGCTCGCGAACTTATGGGCAAACCTAATA  
GGTCGTGATCCTCCAATCATTGAGTACTTGATTAATAGGTGATAAGAGGATCCAGCCATGTTGTTTTGTATAAT  
AGCCTATGGATGATGTGGCTGTTGCTATTTTCTCAAATGAGGTTTCATCACCTTCGTCGACCCCGCTGCTCATT  
CGTGTTGATGTTGTAATAGGAAATGCTAGATGATTACACTCCTTGAGATGAAATTAAGAAAGGAGAACACTTT  
CCAGGTTTTCAAGAAGACCAAATAAATCCAATCTAAGTCTCGTGGGATCCACATTCTACCCATACTCGGCCAT  
TCTTTAGAAGAACTACTGTGTAGCAACTAGATGATGTTTCATATCTGTATCATAGTATGATTTATGCAGTCCAG  
AACTGGATGGATTGAGAACACCATACATAGAGAGAATTTGTCATGTTGGAGATCATTTTTGTTACCCACAT  
ATATATTTTTTCTTTTAATCTTTTTGGTTCTTGTTAAATGTTGTATCTCTAGTTTCTAATCCAGAATCAGAACA  
AGATCTGTTTATCAGAGATGAAGTTTGTAAATGTATATATAGGTTGTCCTTTTCCAGAATCATTGTTGTACTTA  
TAATATGAATGTAATTTATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1837 NM\_001054360|Oryza sativa Japonica Group Os02g0698000 (Os02g0698000)  
mRNA, complete cds

AGGGAGAAAAGAGAAAGGAGTCACAGCACTTGACCCAAGAGCCAATGATTTTGATCTCATGTACGAACAAGT  
TAAAGCAATTAAGTGGTGTCTCTGTTGATAAGCCTATTTACAATCATGTCAGTGGTCTTCTTGACCCCTGA  
GCTCATTAAACCCCTAAAATCCTTGTCATTGAAGGTTTACACCCCATGTATGATTCAAGAGTAAGAGATCTGT  
TGGACTTCAGTATCTACTTGGACATCAGCAATGAAGTTAAATTTGCATGGAAAATTCAGAGGGACATGGCCGA  
GAGAGGACACAGTCTTGAAAGCATCAAAGCGAGTATTGAAGCTCGAAAACCCGACTTTGATGCCTATATCGA  
CCCACAGAAGCAATACGCAGATGCAGTGATTGAAGTGTTGCCAACAAAAGTATTCCAGATGATAATGAAGG  
AAAAGTTTTGAGAGTTAGGCTGATAATGAAGGAAGGGGTTGAGTTTTTAAACCCAGTTTATTTGTTTGATCAA  
GGCTCTACAATTTTCATGGATACCATGTGGAAGAAAGCTCACTTGCTCTTACCCTGGCATCAAATCTCCTATGG  
CCCTGAAACTTACTATGGCCACGAGGTATCGGTGCTTGAAATGGACGGGCAATTTGACAGACTGGACGAGCT  
GATCTATGTGGAAGCCATCTAAGCAACCTGTCGACAAAATCTATGGTGAAGTGAAGTCAACAAATGTTGAAG  
CATTCGGACTTCCCTGGAAGCAACAATGGCACAGGCTTCTTCCAAACCATAGTCGGATTGAAGATCAGAGATC  
TGTATGAGCAGATTACAGCTAGTAGGGTCAAGGCGCCGGTTGAGGCTGCAAAGGCCTGAAGTCTAGTGCCTCC

AACGAGAGGATTTTCTCAATCGTCCGTGGCCGATTTTCATCTGGATTGGCTTTCAATTTAAGCTTTGTGTTTATT  
AGGCTGCTTTACAATGAATTTGTTGTTATGAATGAATTTACTGATCGGTGGAGATTTGTGATGTAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_1838 NM\_117299|Arabidopsis thaliana amine oxidase/ copper ion binding / quinone  
binding (AT4G12290) mRNA, complete cds

ACGCTTGTGGCGAGGATGGCGGCCTCTGTGGCCAATTATGATTATATTGTCGATTGGGAGTTTCAAACAGATG  
GACTCATCAGAATCAAGGTGGGTCTAAGTGGGATATTAATGGTGAAAGGGACATCATACGAGAACACGAACC  
AATTCGCCGAGAGAAGATCTCCATGGCACACTGTTATCGGAAAACGTAATTGGAGTAATTCACGATCACTACAT  
AACATTCTACTTGGACATGGACATAGACGGCTCCGACAATTCATTTGTGAAGGTGAATCTCCAAAGGCAAAGG  
ACTTCTAAAGGAGAATCTCCAGAAAAAGTTACTTGAAAGCAGTGAGAAAAGTGGCCAAGACCGAGAAAGAA  
GCTCAAGTTAAGCTTAGTTTGTACGACCCATCGGAGTTTCATGTGGTCAATCCTTCGGTGAAGACTCGGGTGG  
GTAACCCGGTCGGGTACAAGGTGGTTCGGGCAGCCACCGCCGGGAACCTGTTGGACCTGGACGATCCGCCGC  
AGAGGAGAGGAGCGTTTACGAATAATCAAATTTGGGTTACGCCGTATAACCGGAGCGAGGAGTGGGCTGGC  
GGCCAGTTTGTTTACCAAAGCCACGGCGAGGATACCCTTCAAACCTTGGTCCGACCGGGATCGTGAGATAGAA  
AACAAAGACATAGTTGTGTGGTACACATTAGGGTTCATCACATACCATGCCAAGAAGATTTTCCAATAATGC  
CAACTGTGTCAGCAAGTTTCGATTGGAAGCCTGTCAATTTCTTTGAAAGCAATCCAATCTTTCATTTCCACCAA  
ATACCTTTGAAGACCTTCCTGTTTGCAAGCCTGCTGCCTCAGCTTGATTAACACCACTAGACAGTATTATTAATT  
CTCTTGTAATGTTACTCTTTTATCACTATTCTCTGTAATGTAATACTAATAAACCATTATCCGTGATCACATT  
ATCCAAATTTAGTTTTTATACTTTTAAATCTATAATTTTGGTATTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_1839 BT010532|Arabidopsis thaliana At3g05580 gene, complete cds

ATCTTCAGAGCTTGATTCTCTCAAATTTGTTTGTAATATCTTTCTCTCATGTGGGTTTTCTTCTTCTTCTCCCC  
GAGATTTTGTGAATCGGAATCATTACGTGTAATTGTTGCTTGGCTTCTTTGTGTTGACCTGTTTCTGAAACTCT  
TTCCTGTTCTTCCATCTGAAACTTGTGGAGGGTTTTTTTTGTTCTTCTTGTGTTGTTTGTGTTGTGAAT  
TCATTGTATCGACTTTGATTGGTTCTGTCTCTTTGAAGAGTTGGGTGTTACTTTTCTCCAATTTGGAAGAT  
ACCCTTTTGACCTCTCTCAACTGAAGCAGCCAAGTTGATGTTCCCTCCTTGAAGAGCCATTAGGGCGAGCT  
CTACGGCAGAGTAGTTGATATTCTGGTGTGAATCTTGGAGGAACTGTTTAAAAGAAGAAGATTAGAGGAG  
GATGATGACAATGGAAGGGATTGAAAAGGGGTTTTGGATGATATAATTAGAAGGCTGCTGGAAGGGAGAG  
GAGGGAAACAGGTTTCACTTTTCAAGGCTGAAATCCGCCATCTCTGTGTTAACGCCAAGCACATTTTCTCTCT  
CAGCCAAATCTACTCCGCCTTAGTGCTCCTATACGCATCTGTGGTGATATACACGGTCAATACAAAGATCTTCT  
TAGACTATTTGAATATGGCGGGTACCCTCCTTCTGCAAATTATCTTTTCTTGGTGATTATGTGACCGGGGGA  
AGCAAAGTTTGAAAAAATATGTTTACTTTTGGCATATAAAATAAAACACCCGAATAAAGTATTTCTTGTGAGA  
GGGAACCACGAAGATGCAAAGATCAACCGAATCTATGGTTTCTATGATGAATGTAAAGGAGGTTTAACGTT  
AGGCCTTGAAAAATATTTACTGATTGTTTCAACTGCATGCCTGTGGCTGGACTTATTGATGATAAAATCCTTTG  
TATGCATGGAGGACTGTCTCCTGATTGAAAAGCTTGATCAGATTACGCAACTGCCGAGACCTACTGA

>trans\_c\_1840 BT015114|Arabidopsis thaliana At5g41860 gene, complete cds

TTCTTGCGATTGCAGCCATAACCATGGCGAAACTCACCTAACCTTCATTCTTCTTCTCGTCCTTATCTCTTCCT  
CACTCGCTCGGATCTCAAAATTTACCGGAACATGCAGAGGCCCTCCCCTTTCCGTCATTGAATCCGCTGAG  
GATTCCGATTCCAAGCCTCGATCCTCCTCCCGAGCCAGAAATTGTCCGAGAGCGAATTTCCAAATCCATACC  
AGAGACCGATCAGGTACGCACCCAATCCAATCTACTGAAATCACTACTCTTGATACCATAGACACCGTTGCA  
GATCCGGTAGTTATGATCACTTTCCGTCCAATCAACCGTCAATTCGGTCGAAGATCGGTGCCGCTGATGTTCCG



GAGAGGCCGCCGCGGTTGTCACCACCTCCGCAGCTTGAAACCGTGGAGATCAATCGATCGAGTAGAGGGAAT  
CTCATATGGAAACGACATGATCGTACCTGAGGAGCGATCGAGCCCTAATTCTGGATCGAATCGAGAAATTGCA  
ATTCCATTGAAATTGAGTGGGTTCCGACATGTCGGACCGTGGGAGGGATCGTACATTGGCGATTGGAAGGAA  
GATAAGAAGGATCTCCATCATCACCATTCCATCACCAACACCATGAAGGTGAAGAAGATCATGAACACAAAG  
AAACGAGCGGTTTATTGAGGAAATCCGTAAGTTTTTGAAGTATTTGGAGTTGTGAAGATACAAATGAACT  
ACAAATGATATGATAATCTGTTCTTCAGGTTTATGTATTTTCTTCTTGATTGCAATAAGGTAATTAGCGTTTT  
ACATAGTTCTGTATAGGATTTTGAATCCTTAATTATGTGTAATATAATAGGGTTGCTTTTGATATGAGTGGGAG  
TGTGTAACCTTCACTTAATTAATTACAATAATTATGCATAATATATGTATTTGGGATGTTCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1841 BT012244|Arabidopsis thaliana At1g34010 gene, complete cds

CATTGTTGGTGGACCGAGACCCTGACGTTAACATTGAGCTGGCTTCGACAAAGACGTGGATTTCTGGAGGTG  
CGCTCCCCCTCCTTCGTCGCTGCTCCGTCATAATCCTGCAGAGCCAACAACCTCCGTCTCCTTTGAAGAAACC  
GGCCACTACCCAGCGCCAAGACAGTTTAAGAACGTCTCCTATTTCTGATAATGGAAAGAATCATGTTCTAGTT  
CAGATGAGGATAATCTTGCAAGAAAAATGGTGCTTAAAGTAGCTTGAAAAACATCAGATGCTAATGTAG  
ATTCTGTTGTAATGCTGATGGAAATGAAGCAACAGGAGGAAAGGGTAGTTGTGATTCTAGTCATGTAGAAA  
GAAGGAAAGTACAGTGGACAGATACTTGTGGAAGTCAGCTTGCTGAAGTCAAAGAATTTGAACCAAGTGAAA  
TAAATGCATCTGATGATGAAAATGATATGGGGAAAAGAAGGTGTTTATGCAGTATCATGTAATTCATTCAAAA  
CCCATTTTTACAATTGGTGACGTTGCTCAAGATCCTCAAAGATATGCTGACTTGAATCAAATCAAACCTGTTG  
GCTCGAGAATTTTTCATGACAGAGGGAAACTGTGTCAGAGATTTTAGACATGGAGGAACCATCGGAGGAAGT  
TTGTTGGTTCCCATGTTCTTCATGGTGATCATTTATTCGTGGTGGTCGTGCTGATTTTTTCAGTAAGTTTTCTT  
TCTTTTTTCTTTTGTAAATTTCTATTACCTGGATGAGCTTCAATTTTAGCAGTTTTTGTGCTTTTTTACTGT  
GTATCGTCACTTAGTTTTTTTTTTTTTTTTTGTACTATTTACTCTGTTTCTTCGTGGCTTTTTCTCTCTATATGA  
ACAATTTTTTGGTATATTTCACTACTGTTGAGTATTTAGAAGGAAGCTTCTTCTTAGGGGCTTTTGTGTTGA  
TCGCGATTAAGATAAAATTAATTATATGCAATGGCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1842 NM\_123906|Arabidopsis thaliana sodium:solute symporter family protein  
(AT5G45380) mRNA, complete cds

ATTGATTGAAAGTTGGGAAACCTTACGAGATGTGATGCTTGAATGTTACAAATGATCGACTTATTGAAAAG  
GTTAACGAAATGAACCTAAAGTTACATGCTTTAGTTATGGCTCTACCTGAAGCAGAGAGAATTTACTTACTTGA  
AAAGGAGAAAGCGAGGAAAAAGGACTTGTTAGAAATACATGATCATTCTCCATAGCCACCTGAAAGAGCAGA  
TGTATTTAGAAATTTTATACATATCTTGTAAATTTCTAAGATCCTTTCACCATAACTAAAAGTTACTTGAAAGTTAT  
CCCAAGACTTCATGAGTGTTACTTCACCAGATCTAGTGGTCCTGTTGTGTGGGCAACAGTTTAAAGTTAATTGT  
TTATGTCCTGAGAGTAAGGGAAGCTTTGTTTGATCCTTGGTTTTGTGAACTGTCACCCATAAATACAAACATAG  
CAGGAGGCTGAATTTGTTGTTATGAATCAATAAACAAGAAAGATTCTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCGCCCC  
GAAAAAGTTAACCAATCCCCCACCCGGGGGGGGGGGGGACCCCATTCCTCCCTAAGGGGGTTTAAATA  
AGGCGGGGCCAGGGCCGGCTTTTAAAACCTTCGGGGGGGGGAAACCTGGGGTTTCCCATTTTATCCCTT  
GGAAAAAACCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAACAAGAGCCCCCCCCGGTCCCCCTTCCCCAAATTTGG  
CCCCCCAAAAGGGAAAGGGGACCCCCCTGGAACCGCCCATTAAGCGGGGGGGGGGGGGGGGGTTTACCCG  
AGGGGGGGCCTTTCTTTTGGCGGCCCTTACCCCCCTCTTTTTTTTTTCCCTTTTTTTTCCCCGGGTGCG  
CGGTTTTCCC

>trans\_c\_1843 NM\_106387|Arabidopsis thaliana AAP3; amino acid transmembrane transporter (AAP3) mRNA, complete cds

AAGTATGGAGGAGCTTCCAAGCTCTTGGAGACATTGCTTTGCCTACTCATACTCGATTATCCTCATTGAAATT  
CAGGACACTGTAAAATCTCCACCTTCAGAGGCTAAGACAATGAAGAAGGCAACTCTAGTGAGTGTGTGCGGTG  
ACAACGCTTTTTTATATGTTGTGTGGTGCTGCTGGCTACGCCGCATTCGGGGACATGGCACCGGGAAACCTAC  
TCACTGGGTTTCGGGTTCTATAATCCTTATTGGCTCCTTGATATTGCCAATGCTGCCATTGTCATCCACCTTGTTG  
GTGCTTACCAAGTGATTGCCAACCCCTCTTGCCTTTGTGGAAAAGTATGCTGCTGAGAAGAGTCTGATAGT  
GAATTCATCACCAAAGATATTGATGTTCCGATCCCCGTTTCCGCCCTATAAACTCAACCTATTCCGGTTGGTT  
TGGAGGACGGCGTTTCGTGATCACCACAACCTGTGATCTCGATGCTTCTCCATTCTTCAATGACGTCGTTGGATT  
CCTTGGAGCTCTAGGATTTTGGCCTCTTACCGTGTACTACCCGGTCGAGATGTACATTGCCAAAAGAAGATAC  
CAAAGTGGAGTTCGAGATGGTTGTGCTTGCAAACCTTAAGTTTGCCTGTCTCATGATCTCGATAGCAGCTGC  
GGCCGGATCAGTTGCCGGGGTTGTTCTAGATTTAAAGAGCTACAAACCCTTCAAGACAAGTTTTTGATTCTCAT  
AGATTTGTCTTTTGTGTATGGGAACTCAAGATGAATTAATGGAAGGGGTTGGTCAAAATGACATTTTAAATTC  
AAGTTCTTCTTAAAGAAAAAGGCTTCAAACACATTGAAGCTCTCTCTGTAGTTAATTTTACTGTTTCCCA  
AGAAAATAGATGAAATCGTGAATGTAAATGTTTTAAATTATCACATTTCCAACCTTGTACCCTCTATTCTCATT  
GAAACAGAATTATATATGAAACATTTACCCCAATAAGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1844 DQ300358|Ricinus communis ACS2 mRNA, complete cds

AGCCAAAGGCCGCAGGATTTTGATCGAACGGAGTAATGGAAGGCCAAAATCCGAAATGGAAGGTTGACCGA  
AAAATCAAACCTCAACTACAACCTTCAACCAATTGAATGTGAATGCGTTTTACGTTACGTCTTCTTCTACTGATT  
GTTTTCTTGCTCATCATACGGATCACAACCTTCTGTTTGTGGATAATCGAACGATTAATTTTTCTTTCAAATAAT  
CAGAAAGCTATTATCCGAATCGCTGTTGCCGTCATTGTACCGTCACCTAACGATGCGTGCCTGTTCAATTA  
ATCTATCCGTGATCGGCTAGATCTGTAGTGGCGGATTGAAATCTTTCGCTGCTTATGGATTCTCCAGCGGCTCG  
ACGTCGGATACAAGCCATTCAGGATCATCTTGTTCCCGCCGGCGAATTCTTCTTCTCAGCTCCGGCTTAATG  
CAACTGCTGGCGAGTTTTTTAGCGGGGATGGCTACAGCGTTGTGCTTCCAGAGAAATTGCAGACTGGAAAAT  
GGAATGTATATAGATCTGCTCGCTCTCCTTTGAAGCTTGTGGATAGATTTCCAGATCATCCGGAAATTGGTACA  
TTGCACGATAACTTTACGCGCTCAGCTGATGTATATAGAGACTATAAATATCTAGGTACCCGAATCCGATGTGA  
TGGAACAGTTGGAGAGTACAAATGGATGACATATGGAGAAGCAAGTACTGCTCGGACAGCATTAGATTCTGG  
TCTTGTAATCATGGTATACCAAAGGGATCTTGCAATTGGATTATATTTTCAATAGACCTGAGTGGCCTGTAG  
TTGACCATGCCTGCTCAGCGTATTCTTACATATCAGTTCCTTTATACGATACTCTTGGTCTGATGCGGTCAAGT  
ATATTGTAAATCATGCTCTTGTACAAGTTATATTTTGTGTTCTCAAACATTGAATTCTTTATTAAGCTTCTTGT  
AGAAATCCAACCGTACGGCTGATTGTGGTTGTAGGTGGGCAAGATGATCAAATACCATCGCTTCCATCAT

>trans\_c\_1845 NM\_114674|Arabidopsis thaliana DNA binding / protein binding / transcription regulator (AT3G48050) mRNA, complete cds

ACCTGGGACATGGTATAGGCACCCACAGGGACGTTGTTCTGGAGGACTAGATCTTGACTTGAACCGAGTTG  
ATGATGCTCCTGATCCAAGCAACTTCTCCCTGAACAACTGTCGTAGAATTGAGGCTCCAATTAGTGTTAAATCA  
TCTACTGTTCTCTCAATGACAAGGTGAATTTTCGTAGGGACTTTGATTTAAATGGTCCTATTGTCGATGAGGC  
CACTACTGAACCATCGATATTTCTCAGCATGCCAGAAGCAGTATGCCAGCCCAGCCATCAGTTTCTGGCCTTT  
GGATGAACAATGCAGAAATGGGAAATTTCCCATCATGGTTTCTCCGGGGAATGCCTATTCAGCTGTTGCAAT  
TCCATCAATTTTGCCTGATAGAGCAGAACAGTCATTTCCAGTTGTTGCAACAAATGGACCACCCAGGATTTTGG  
GACCCACAAGTGGTAGCAGTCCATATAGCCCTGATGTCTTTAGAGGGCCAGTATTATCATCTTCTCCGGCAGT  
GCCATTTCTTCTGCAGCTTTTCAATATCCTGTCTGTCTTTGGAAATAGCTTTCCTCTACCTTCAGCCACGTTT  
TCAGGTAATGCAACAGCATACGTTGATTCATCATCCGGCAGCAGGCTTTGCTTCCAGCAGTCCCTTCACAGTT

TTTAGGTCCTCTGGTACAGTTTCAACGCCGTATCCAAGACCTTATGTTGTCAGTCACTCAGATGGCGGCAACA  
ATACTAGTTCTGATAGTAGTCGAAAGTGGGGAAGACAAGGTTTAGATCTAAATGCCGGTCCTGTAGTTCCAGA  
CGCTGAAGGAAGAGAGGAATCATCATCCTTGGTACAAAGGCAACTATCTGTTGCCAGTTTCGACAGGCCACAGC  
CGAAGAGCATATGAGGGTTTACCAGCCAGCAATTGGCATAATGAAAAGAAAGGAACCAGAAGGAGGATGGG  
ATGGGTACAAACAGTCATCATGGTCGTAGGAAGATCCCTGTTGAAACCTGATAGCTGTGGTTAGAGGGATTT  
GCATTG

>trans\_c\_1846 NM\_105566|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein  
(AT1G68920) mRNA, complete cds

ATGGTAAACAGGCATCTCAACCTTCTGATCCTCCAAAGGAAGAGTATATTCATGTTAGAGCTCGAAGGGGCCA  
GGCAACAAACAGCCATAGTCTTGCAGAGAGGGTAAGGAGGGAGAAGATCAGTGAGAGGATGAAGTTTCTTC  
AAGAACTAGTCCCTGGTTGCAGCAAGGTTACTGGAAAGGCAGTGATGCTTGATGAAATCATCAACTATGTCCA  
ATCACTGCAACGACAAGTCGAGTTTTTGTCAATGAAACTTGCTACCGTAAATCCAAGGTTGGATATAAACATC  
GATGGAGTTGTAACCAAGATATTCTTCAATCAGAGTTGGTCCATTGTCGACATTGGGATTTTCTTCGCATAT  
GCCCCGTTGCTTGTCTCCACCTAATATTTCTCATCATGAACTTATCCCAAGCAATTTTCTGCCATAGGGAGCTC  
TGAGATGTTAAGAAGCACAATGAATTCTCATATGACTCAGAGGTCTGGTGGATTTAAAAATCCTTCTCAGATA  
AAGAATGTGTGGGATGGTGAACCTCCAAAACATTGTGCAGATGAGCTTTGGGATGCCACTCCCCCAAATTGTT  
AGAAGTTGAAGGATCTGATTCATCAGGCAGAACAAAAATTGAACATTGAAATTCTTCTTGATTGCCAAGAACC  
ATTTCTGCTTCTTCGTGTACAGGTGCATTTGTGTTAGTTTTAGTACGAGAGTCATCGCCGCGAACTATTTCTCC  
TCGTGGTAAAAATGTGAAAGAAATTGTGAGATTTAGTTGTCCAATGTGATATAAGAAATACCATTACTGTATTTG  
GAGCTGCGCTACTCTAGCGGGTAACTGAATCGGAGCTGCAGATACTAATCGAGGCAGAAAATTGCCCTGTGA  
CAATCACCCAAAACCTCAATGACCCGGTAGAGTAACTAGTTTCCAATCTCATTAGTTCATATTATAGGGGAGTCC  
TTGCCTTAGTCTTTGTATAGAGGGGTGAGAGGATTCGATATCTAAAAACCAAGGACAGCTTGAACCTATTGTG  
TTTTCT

>trans\_c\_1847 BT004772|Arabidopsis thaliana At1g09330 gene, complete cds

AAATGAACTGAAGTTGTGAAATATTTTCTTGATTCTGGTGGCTACAATTTCCCTCGGCGAGCGCCTAGCGACG  
GAGGGGGTGGTGTTCGCTTCATTTCTTCAACAGATAACCCAAATTCTACACTTACCCACAATTTACTTCGTGC  
AAATTCTCTCCAATTTCCAGATCATGGATCCGAACCAGCCACCTGTGGAAAATTATGCTAACCCAAAGACTTGT  
TTCTTTTCATGTTCTTTTAAAGGCTGGAGCATTGGCCTTTTACATTCTTCTCTCTTTTCAATAGTTTTGTTAT  
CATTTTTGTGGTGAAGTGTGTTTTCTGCTGCTCTGACTTTTGGTTCGTGAAGAATGTGAGTGGGCGTATATTGG  
TTGGTTTAAAGGTGGTGGAAATGAAATAAATGATCTGGGTGAGAGTGTGTGGAAATTTGAAAGCCTTGATCAAG  
AGTCATTGTCTCGGATGAATAAAAAAGATTCTGGCTGTTTTGGTGGACCTTGACCTCACGGCAGTTGCATG  
GACTGTGCTGGGCATATTCTCTTTGATAAAGTTTCAAGCTGATTATCTCCTTGTCGTAGGAGTTTGTGTTGACTT  
GAGCATTGCAAACATCATTGGCTTTACCAAATGTCGTAAAGATGCCAAGAAGCAGTTTCAGCAATTTGCCACT  
CAGACCATTGCTTCTCAGTTCTCCTCTACATTACAGTCAGCTTTCAGTGTTGTTGAAGCATCCATAGCAATGTG  
AAAGAAAGCAGATGAAAGAAGAGCAATGGCACAAGAGATGTGTTGAGCAACAGCTCTAAGGGCATGTAAAT  
GTGCATTATTTTAGGTATTACTGGGTTGGATTGGATTGGTTCGTTTTAACTTTCCTTTTTCTTCTTTTTTGA  
TATACAAAGAAAAATATTAATAAATTTGTACAACTCCCTTTTTCCCAATGTCTTGATTGTGAAAATCCAATGA  
AGTGAATCATAGGAAAAAAACAAAACGTTAATTTTGCCAAAAAAGGACAGCTTGAACCTATTGTG

>trans\_c\_1848 AY050388|Arabidopsis thaliana AT3g05640/F18C1\_9 mRNA, complete cds

AATTTCAAACGCAACCGTATTCTTTTCAAATGGTCCAAACTACCCATACAAATAGTCATTATTTTAAAGTCATT  
ATCATACTTTCACACAAGAGGACACCGTACGGCTTGAAGCCCGCGGTGACGAAATATACATTCACGTAAAGAA

CGCTTTGGATTATACAACCTGAGAGAGAGAGAGAGAGAAAGAGATAAATAAGTAAATGGAGAATCAGCGTACGC  
AAGGCTTCAAGTTTCCGACTAGAAGTTTTCTCTCGCCGGAATTTTCGGATTCCGACCGGCGGAGATCAGTTTC  
AGGAGGTAGTTTTGGCGGACCAAGTTTCGATCGACATATAGAAGTTTCCGCGTTGACGTGTGCTTGAACAATAG  
TTCCGGCGGTACTTCAGATTGGTTCAATATTGATGGTGGTTTTTCCGGAAGTTATCGAGGAAATGGTAAGAA  
ATATGTCGATAAAGAAAAAGAATAACAACAATAATAATGAAGACGATGGGAGCAAAGAAAAAATAGGT  
AAAGAGGGAAAAAAGAACAATCCATGATTTGTTTATCTGGAAGTTTTAAACCAGCAAGTTTGAAGATATGG  
CTTCTGTTTGCTCCAAGAGAGGAAATAAAGGAATTAATCAAGATTCTCTTGTCTTTGGAAGGATTTTGGTTGC  
CAGGCAGATGTGGTATTATGTGGGATGTTTGATGGGCATGGGCCTTGGGGTCACATGATTAGCAAACAAGTC  
AGAAAATCATTACCTTCTCAATTACTCACCAATATTCAAAAAACCTTTCCATGCAAACCGACCAAACCCATCTC  
TTTCTTTCAACCTGTGGAAGCAATCTTGCTTAAAACTTATGCCGCTATTGATGAAGAGCTCAAGCAACACCC  
TCGTATTGATTCTTTTATAGTGGCACCCTGCCTTAACCGTCGTTAAACAGGGTCGACATCTTGTGTTGCAA  
ATGCTGGTGATTACGAGCTGTCTTAGCAGTAACCTCCGATGATGGGTGCTTTGAACCCAGTCAGCTCTCAGTT  
GATTT

>trans\_c\_1849 NM\_100710|Arabidopsis thaliana DCP1 (decapping 1); m7G(5')pppN diphosphatase/  
protein homodimerization (DCP1) mRNA, complete cds

AAGGAAGAAGAAAAACCTAATTTGGACAAGAGAAAAATAAGCAAAATCCAAAATCTTTTTATTGAAAAAATTG  
AGATAAAGGATTAGAACGGAGAAGAAAAATAGTGTTGAAATTTTGTGATGTAGGGAAACTGGAAAATCGA  
GAGAATTGTTGATGATCTATATAATTCAGCCGCCACTTTCCATCTTCATCAGATTTCTCTCGTGTCTGCTTGCCTT  
CAACAAGCTGCTCTCGTTTTTCTCTTAACCGCTGTCACTTCCCGGGAAAAAAAACGAGAAAAAGGGCAGA  
GAAAGTTGAAGAAATCCAAGGGTTTTAGATAACGAAAGTCTCCTCGTTGGTTGAAGATGACTCAATCCGGAA  
AGTTGATGCCGAATCTCGATCAGCAGAGCACCAAAATGCTTAATCTTACTGTTTTGCAGAGAATAGATCCTTTC  
ATTGAAGAGATTTTAATCACCGCTGCCCATGTGACATTCTACGAGTTTAATATCGAAACCAATCAATGGAGTCG  
CAAGGATGTAGAAGGATCTCTTTTCGTAGTGAAGAGAAATGCTCAACCTCGCTTCCAATTCATTGTGATGAAC  
CGACGGAACACAGATAATCTAGTGGAGAATCTTCTTGGGGATTTTGAATATGAAGTGCAAGCTCCTTATTTGT  
TGTACCGGAATGCTGCTCAAGAAGTTAATGGCATTGTTTTACAATCCACGGGAATGCGAGGATGTCGCAAA  
CCTCTTCAGCAGGATACTTAATGCATTCTCGAAGGTTCTTTAAAGTCCAAAGTTTCTTCAAGCAAGGGTGATT  
TTGAGGAGCTTGAGGCAGTGCCAACAATGTCAGTGATTGAAGGTCCATTGGAGCCCTCGGCACCGCCCTCGA  
CTGTCACTGATCCCCCGAAGATCCATCCTTCGTGAACTTCTTTAGTGCGGCTATGAATATTGGAAGCAATGCT  
CCAAATATACCGGATTCAAGGCAGCCATATCATCTTCTCTATTAACCCTCCATCTTTGCTTGCTCCTAAATCT  
GTATC

>trans\_c\_1850 XM\_002872218|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata TIF3B1, mRNA

AGCGATTGCAAAATGTACTGGCAAAGCAATGGGGATTATCTTGCCGTCAAGGTTGATAGATATACAAAGACA  
AAGAAAAGCACATACACAGGGTTTGAGCTTTTCCGTATAAAAGAGCGGGATATTCCCATTTGAAGTGTTGGAG  
CTTGAGAATAAGAATGACAAGATCATTGCCTTTGCTTGGGAGCCAAAGGGGCACAGATTTGCAGTTATTCATG  
GTGACAACCCAAGGCCAGATATTAGCTTTTACTCTATGCGAAGCACAAACAACAGTGGCCGAGTGTGCAAACT  
TACAACTCTCAAAGGAAAGCAGGCCAATGCTCTTTTCTGGTCACCTGCAGGACGGTTCATTATTCTTGCTGGTC  
TGAAAGGTTTCAATGGACAGTTGGAATTCTACAATGTCGATGAGCTGGAGACAATGGCTACAGCAGAGCATT  
TCATGGCTACTGATATTGAATGGGATCCTACTGGAAGGTACGTTGCAACTGCTGTAACCTCAGTCCATGAGAT  
GGAAAATGTTTTCAACATTTGGTCTTTAATGGAAAACCTCTCTATCGAATCTTGAAGGATCATTTCTTTCAGTT  
TGCATGGCGGCCGAGGCCACCATCCTTCTTGAGTCCAGAAAAAGAGGAAGAGATAGCAAAGAATTTGAAGAA  
GTACAGCAAGAAGTACGAGGCTGAAGATCAGGACGTATCCATGCTATTGAGTGAGCAGGAGCGTGAGAGAC  
GAAGAATGTTGAAGGATGAGTGGGACAAGTGGGTAAATGAATGGAAGAGATTGCACGAAGAAGAGAAGTT

>trans\_c\_1851 NM\_001061670|Oryza sativa Japonica Group Os05g0301600 (Os05g0301600)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_1852 NM\_001057852|Oryza sativa Japonica Group Os03g0756400 (Os03g0756400)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_1853 NM\_001073640|Oryza sativa Japonica Group Os12g0576300 (Os12g0576300)  
mRNA, complete cds

ATTCATTCTTCAATGGGAAAGACCAGAATCTCAATCCTTCAGCTAAATCTGATGATAAGGAGTTATCCAAACCA  
AATCCCGAAGAGGATTGAGAATCTCTGAGTAAAATTGAAGCTGAGCTTGAAGCAGAACTTCAGAGGTTGGGA  
CTAAATACTGAAACATCGAGTGCAGATAAAAAGATTCGCTGATCTTCATGAGCTAGATCAAGAATTTACGGTAG

ATTTTCTGAAGGTGAGTTGAGAGCTGACATGATCAATGATCTAAGTCCTAAGCTTCAGCAAAATCAAGATGC  
AAGTGAGTTTACCTCCTCGGGTAACTACACAGTTTCACCTTGGGAGCTTAGTGTTGACTACACGAAGTCGTTT  
AGTCAAGGCTCGAAGCACGTGTGAGAGAGCTCGAAACGGCCCTTGAGAACAGCGAGAGGAGACTTCACAGC  
ATTGAAGCCAAGCGAACTGATTCTTGGAAAGAATTCACCATAATGAAATGCTACATTCATCTAGTGAAGAAA  
GTCTAACTGCTCAACCCCTTGTTATGAATTTATCAGGAGAAGCTCTAGATGCCTACAACGATGCATATAATGAG  
TTGATGGATATCGACGATTCAGAAGAAGAACCTATGCATTGCGCTTCAACAGGTGATGAAAGTAAGCATTAC  
AAAGCCAACTACTGTCAACGGTCATCCATTTTCAGTTCAGAATGGGAGAAGAAACGGATCGATAAGCCTGG  
GTCGGATACTTGTTGAGGAGAAAATGAAGAATTCTTATAAAAAGTTTGGCACAATGAATGGAGAGTCAAATG  
AGGTAGATGGGAGTGAAGATGAAAGCAGTGATTATGATGATGAGGTAGAAAAGCAGTTGATAAAGCAGATT  
GTTGAGAAAACCAGAATGGGTTCTCCTGTGGTTCGGAATGCACAAAGATGGTTATTTTCGATGGATAAAGATG  
ATGGCTGAGGCAGTTATAGAAGACGATAGATAATGTAAGTTTAGAAATACGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1854 AF380625|Arabidopsis thaliana AT3g02420/F16B3\_5 mRNA, complete cds

AAATCTTGTTGTTTCAAGAAGAACGACAACAACAATCAGAAGAACGAAGAACTTCAGAAATGGGGGAAGAAC  
AAGATGATTCCCAGAGGCTTAAGAGGGCAGCGGCAGCATCATACGACTACGAGAACGATCCCAGATGGGCT  
GATTATTGGTCCAACATTTTGATTCTCCTCAAACATGGCGTCTCGCCCTGATGTTGTTGATCATTACAAGCGCAA  
GTTTTACCAGAGATACATCGATCCTGAACTTGTAGTAGAAGCCATGTCTTCAAGTAGTTCAACTCAGTCATCTA  
GACCTTCAGCAACATCTTCCGCAGCACCCCTCCTACTAATGATCGAAGTCGACCACGAAGTTCAGGATCAACT  
TCTAGGACTTCAGGTACATCTGCAAGTGGAGATGCTAATCCAATCCATTGCGCTGGGATCGACAAACAATTC  
AGTTTTCTGTCAATGCATGGGTGTTTATTGTGGCTGTCCTGGCAATTTTCCCCCTAATACCCAAAAATCTTTCAC  
ATAGGGCATAACAGGCTATCTTTATGGGCACAACCTGTTCTTCTTATATTCTTTGTAAGTGTGATGGAAAGC  
CCAGGGCGTGGAATTTGCAAGCACCGCAAGCTTATTTCCAGTCGATAATTGGAACAAAAGATTTCAATTAATTC  
ACCTACTGTATCACCTTTGTGACTTCAAATATTTGTCTTAAATTTGCTTAAATTCCTATCCTATGTGCGTCACTTG  
AACATGTTGCAAAGTTTCTTAAGCGTAATTTTGCACGTTTCATCCTTATACAGGAAATATTTGGAAGAGCCTTGC  
GTATGGGTGGAGTCAAATCAACTACTCTCAGCATTCTGTCTTCGAGGCTGAGATTGGACTTGGCTTCATTCT  
TATCATCTCCTTGCTCTCGTGGCAACGCAACTTCTTACATACATTATGTACTGGCAGTTGCTAAAGCTTATGTA  
TCATGCTCCTGTCACTTCTGGGTATCACCGTAGCGCTGGACCAATATTGGGAGGGGTGTTTCGCCG

>trans\_c\_1855 EU188457|Leucaena leucocephala coniferrin beta glucosidase mRNA, complete cds

AAGTCTAAATATGAATATCAAAATGGTCAAATTGGAGTGACATTGAATACGGATTGGTATGTCCCAAATTCAA  
ATCATGACGAAGATGTTAAAGCTGCATCTCGGGCTTTGATTCTTCTTGGGTGGTTTTTGCATCCTTTGGTGT  
ATGGAGATTATCCAGCCAGCATGAGAGAACTTGTGAAGGAGAGATTGCCCAAATTCACAGAAGATGAAGTTA  
CATTGGTGAAAGGGTCATATGATTTTCTTGAATAAATTACTATACAGCTAATTATGCAAAAAATAATCCCAAT  
GTTGATCCTAACAAACCAAGCCAAGTCACTGATGCACATGCCGATGTTTCAACTGATCGAGATGGAGTTTCAA  
TTGGTCCAAAGGTTTCGTAAAGATTCTTGCCTTGCAGTTTATCCAGAAGGACTGAAAGATCTTATGATACATATA  
AAGCATCATTATAAAGATCCAACCATCTACATAACAGAAAATGGATATCTTGATTATGATGATCTCGACGTTGA  
GAAATTACTTAGGGACGAGGGTAGAGTTAAATACTACCAACAACATCTCATCAAACCTTCATGAATCAATGAAG  
GCTGGAGTAAAGGTAAATGGATATTTTGCATGGACATTACTGGATGATTTTGAATGGTCAAGAGGATATACTC  
TGCGGTTTGAATAAACTACATTGATTTCAAAAACGGAACCTTTGGAACGAATCCCAAACTCTCGTCAAAGTG  
GTTCTCCCATTTCTACGCAGTTGAAGATGATTACAAACCCCATCAAACCTATCTGCTAAGCCTCCTTAAAGC  
TATTTCTAAATGCCATTATAATAAATCCTTAAAGCTATTTCTAAGGCATTATTATATTTAATGTTGTTTTGTT  
TTTTATATTGCAATCTTGTTATTTAATGTTTTGGGTCAATAGAACAAATTACCTAAGCTATTGTGTTGTTTGA  
TTGAGAATATATATGCTGCTTTCGTTTACCCATTGGCCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1856 NM\_111919|Arabidopsis thaliana DNA binding / protein binding / transcription regulator (AT3G10820) mRNA, complete cds

CCCTTTTGGAGCACCCAGTTTGGATTTAATCTCTTTAAAAAATTTCTAGAGAGAGAGAGAGAAAACCAACCAAA  
CAAACAACAAAAACCCATTTCCATTTCTAAATCCATTCTTCCATTGAAAAAGAAAAGAGAGATTGAATTGAAAG  
ATTGAATTCTTTGTTCTTATTTTCTTCTCTTTCTTTTCTTCTCTTTCCATTTCCCATATTCCCGATATTTCTT  
CTCCACAGCAAATCCCGGAGCTTTTCCGGGATTGAAGAGAAGCAACCAAGTTAATTTCTCTGTTACTACTACCC  
CTTTTCAATTTTATAGAACAATCCCAACAACCATAGCTTGGGTTTTGATCAATATCCTGTTTTGTTCTTGATCAG  
ATCCTTAATTTTCATAAAAAGAAGGAACGAAATCGAGCACCAATACTTACTCTACACACATTAACCAACTCGTT  
TTTTGTGTTTAAACGGATGAAACTCCGACTGTTAATGGGTTTGTTGCTAACGATTTTTCTGGGAATCGGATTC  
TTGTGGTGCTGGATTAGTGTTAGATAAGGCGGGCTTTCTGTTTTGGGTGTTGGTTTCTTCAAACCCATCTT  
CAATCAACTGGGTGAACCCCAATTGCTTGCGTTTTCTTCATATTTAGGTTTTTGTCTCACGGCGATGGAAT  
TCCCACTTCGATTCTGAGTATTTCTGTTGGAATTTCTCTGGGTTTGATCAAAGGTTAGTTTCTCCAGATTCCGAT  
CATGGCTGCCAAGTCTGGGTCCCTTGATTCCTGGAGGAATTACTTCCGGAATGCGAATTCGGATATTTTTGGTA  
TTATCGATTACGCAATTTGGTGGCGGCTTCCGATTGTCCTAAGGAGTTCAGGTTGAGGAGAGATCGAATTGC  
AGAGCAGTTGTTCTCTTGCCGATTGACTCGTTGTTGGGCTGTGACCGAGTGGAGCTGGCGGTGGCCGGAGA  
CATCGACGGAGGTGAAACGGGTTTCAAGAGCGATTCGCCGGAGATGGGTGTGAGTTTGAG

>trans\_c\_1857 NM\_102021|Arabidopsis thaliana PBC1 (PROTEASOME BETA SUBUNIT C1);  
peptidase/ threonine-type endopeptidase (PBC1) mRNA, complete cds

TAAAGCCCAAGCCATCAATATCTATACTAAAATCAAGTGTGTTGCTCCTTCCCGCATTTCTCTTTGCGATTCAAC  
TCTCTCTCTCTCTTTTCTCAGAGATTCTCATAGTTTTCTATAGGGAAAAGCTTGATTTCTGACCTGATGTCGATCTT  
GAGTATAATGGAAGTGCTGTAGTTGCGATGGTGGGGAAGAATTGCTTTGCCATTGCCAGTGATCGTAGACTT  
GGTGTTCAATTACAGACTATTGCCACAGATTTCCAGAAAATTTACAGGATTCATGATAAGCTATTTCTTGGCCT  
TTCGGGGCTTGGTACCGATGCTCAGACACTGTATCAACGGCTTGTTTATCAGCACAACTGTACCAACTTCGTG  
AAGAGAGGGACATGAAGCCTGAGACTTTTGCTAGCCTTGCTCAGCTCGTCTTTATGAGAAAAGGTTTGGTCC  
ATATTTCTGCCAGCCTGTAATTGCTGGATTGAGTGATGAAGACAAACCCCTTCATTTGCACGATGGATTCCATTG  
GGGCCAAAGAGCTTGCTAAGGATTTGTTGTTTCTGGTACTGCATCGGAGTCCCTTTATGGTGCTTGTGAGGC  
AATGTTTAAACCTGACATGGAACCAGAGGAATTATTTGAGACCATCTCTCAAGCGCTGCTGTCTTCTGTGGATA  
GGGACTGTTTGAGTGATGGGAGGGCATGTCTATGTTGTTACGCCTACTGAAGTAAAAGAGCGAATCTTGA  
AGGGACGCATGGATTGATCCATTTTTGATGTTTGAAAGATGACTTGTTTCATGATTACTTCAAATTAGGCTGC  
AGTCCAGGGCAATGGAGTTCACGAGTGAAATGCAAGACTTTTCATGCTGGGCTGAACTTGTAATGTGCTCTAT  
ATAATTTGACATGGAATTGGCTGTCTAGAACTGTCTACTCGAGACAATGCTTATGAAACAAAATGTGCCTTTTG  
GTTCAAAAATTGATTGATTTAGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1858 NM\_113385|Arabidopsis thaliana catalytic (AT3G24730) mRNA, complete cds

CTATCTTCTAAGAACCTTAACAAAGAAGGGAGAAGTGGATTCCCTTATTAGGGATACGATTGATAAGGTCCTA  
ATTCTCCGATTTGGGCGGTGTTCTGATTCAGTGTGTCTCCTCCTTGATGACATTCTTGCTAAGTGCGCACGAGA  
AGTATCCAAGTTTGCTTCAATAGCATTGGTTGATATTGATTCAGAAGAAATGCAGGTTTATGTCAAGTACTTTG  
ACATAACTCTTATACCGTCCACTGTTTTCTTCTTCAATGCCCATCATATGAAGATGGATTCTGGGACTGCAGATC  
ATACAAAGTGGGTTGGCGCTTTTACCAAAAGCAGAAATTTATTGATGTTGTGGAGGCAATATTTAGGGGAGC  
AATGAAAGGCAAGCTCATTGTGAATTGTCCGTTGCCTCCTGAGCAAATTCAAAATACCAGCTATTATTCAAGG  
ATGTGTAGGAGATGAACTGGTGTGTAAAGGCTTACGGTATTTTTCTTCTCCTAGTTAATCTAACTAGTTTT  
TCGATGGTATCAGTCATCCTGTGAAGTCTAATTTGGTGTATGTCAGTCAAGTTGCCATAACTGAAGAATGACT  
TAAATGAATTGAAATTCATGAAGAATGTTGCCAAATGCTCTCGTATCTCCATATTTCTCTGCATTTGAAGCA

TTTCAACATTTCTGGTGGTACGTTTGAATTTGGGGAACAGAAGAAAAGTTTGTGTGAGCATTTTCTTCAGCTA  
CCTATAGAAAATTAGGTTAAGTTGAGAAAGTTCAGGTTATGTATTTGTTTCAAGTGGTGAAGATTATAGTTCATT  
CCCTCTCTTCATTTGTGGAACATAATTTCCCTTGTTAGATTGCTAGTTTGTGAGTGGGAGATTAATCATGTGTA  
AAACCATCTCGTATATTTTTATTTTGTGAAACACATTAATGAAAATAGTGAATGTTTTCTTCACCGAGTTACTTG  
GAAGCAATANAATGAATGATTCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1859 GQ997940|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 clp protease  
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

TAAATTGAAAAAAAAAAGAAGTCGTAGCAAAAAGCCATGCTATTGGGGCATTTGTCCTATATGTGCAAATCCA  
AATCGGGCAGATCTTGACTCGGAGTAGAGCATAAACCTAAAAGAATTGAAGAAGACCATTTTGAACAAGAA  
AATGACATCGGAATTGAAATTGAATCTCGATGAAACAATATATCAATGAAAAGTTAGTTGATAAAAACTTAA  
TTAATGAATTGTTTTTTTATTTATTGAAATTTATAGTATAGATAAACGACCGCGGGCCAAAGGACAAAACCTCA  
TCCATTTTGCCCCAAAATGGAAGGTAAGAAAAAGCCCTTCATTAGAAGTTAGAAAGAGTCCTCTAAAGAAG  
GCTAAAATCTAAACATTGATTCTTTTTTCGCTATTTTTTTGAACCGTATGCATCAAAAGGTGCCCGTACGGTTC  
TTAAGGGATACAATTTTATCCTAATCAACCGACTTTATCGAGAAAGATTACTTTTTTTAGGCCAAGAGGTTGAT  
AGTGAGATTTGCAATCAACTTATTAGTCTTATGGTATATCTCAGTATGGAGAATGATACCAAAGATCTGTATTT  
ATTTATAAACTCTCCCGGTGGAGGGGTAATAAGCGGATTAGGTATTTATGATACTATGCAATTTGTGCAACCA  
CATGTACAGACAGTATGCATGGGATTAGCCGCTTCAATGGGATCTTTTATTCTAGTCGGAGGAGAAATTACCA  
AACGTCTAGCATTCCCGCACGCTAGGGTAATGATCCATCAACCTGCTAGTTCTTTTTATGAGGCACAAACGGG  
AGAATTTATCCTGGAAGCGAAAGAACTACTGAGGCTGCGCGAAATCCTCACAAGGGTTTATGTACAAAGAAC  
AGGCAAACCTTATGGGTTATATCCGAAGACATGGAAAGGGATGTTTTTATGTCAGCAACAGAAGCCCAAGCT  
TATGGAATTGTTGATCTTGATAGCGGTTGAATAACAAATAGCAGGTATTTACGCACCCGCGGCTTGCCCCGCT  
AAAA

>trans\_c\_1860 BT000248|Arabidopsis thaliana glutamyl-tRNA synthetase (At5g26707) mRNA,  
complete cds

TAATCCAATTCCCCACCACCGGATTGGTTCCAAGTATAAGATATACCCAACCTTATGATTTTGCCTGTCCATTTGT  
TGATTCTATTGAAGGCATTACACATGCACTACGGTCTAGCGAATACCATGACCGCAATGCACAATACTACCGA  
ATCCAGGAAGATATGGGTCTAAGAAAGGTTTCATATATACGAATTTAGCCGTTGAACATGGTGTATACTCTTC  
TCAGCAAACGTAAGCTTTTGTGGTTTGTTCAAAATGGTAAGGTTGATGGATGGGATGATCCCCGTTTTCCAAC  
AGTACAGGGGATTGTTGGAAGAGGTTTAAAAGTTGAAGCTTTGATTCAATTCATCCTCGAACAGGGGGCATCG  
AAAAACCTCAACCTTATGGAATGGGATAAACTATGGACCATTAATAAAAAGATTATTGATCCTGTGTGTCCCA  
GACATACTGCTGTTATCGAAGAACGTCGTGTGTTATTTACCCTTGGTAATGGTCCAGAGATACCATATGTTTGA  
ATAATACCAAAGCATAAAAAATATGAGGGTGCTGGTGAAAAATCTACCACTTTCACAAAGAGGATATGGATTG  
ACCAAATTGATGCACAATGTATCAAGGTGGATGAAGAAATCACCTTAATGGACTGGGGTAATGCAATAGTGA  
AAGGCATCCAGAAGGACCAAGATGGGTTTGTACACAATTGTCAGGAATTTTGCATCTTGAAGGTTCTGTGAA  
GACCACGAAGTTGAAGATCACTTGGCTGCCTGATATAAAAGAACTAGTTACACTCTCACTTATGGAGTACGAT  
TATTTAATCACAAAAAAGAAGGTATGGACGTTTAATACTGGCATCATTGCACTTTTTTAGTAGTAAACGATGTC  
AGTCTGTTTATTTGGTTGATTAAAGATATTATACTCTCTCCCTGTTGATTTTGAAGCTCTGAAGGAGAGATGTCG  
ACTAAAATCAAAGTTCGAAATTATGCATACTGACAGTGACTTCAGCATATTTGTGTGTAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_1861 BT015537|Arabidopsis thaliana At5g18130 mRNA sequence



ATATCATTTTGTCTTTTGGCAGTCCCCTGTCCAAGAGCTACAAGACACAACCTCTCAGAGGGCTTTGGCTAAACC  
ACTTCTGCAAAAAAGTTTTGAATTTTGAGTCTCGTTTCATATAAAGTTCACCTTGTTGTGACTTTCTTTTGTCTCT  
CAGCATCCAATCATTATCCTCTATTTCTCCCTAGTTCTTCTAGAGAAAAAGGAAAAAAATGGACCTCCATGA  
ATGGGAAATTCTATCAGATGATGGGTTGCTTGATTACAAAGATGATCAAAAGAAGATTGTTTCCGCTAAGAGG  
CGTTCCGGTTCTGATGCTAAGATTGTGTTTGATATGAACTACTTCCTTTGTCCGTCAATGAATTCTTCTTCCAAG  
CAGCACATCAGCCAACCGTCTTCTTCAAGATTGGTTAGACAGCCGATTCTGTTTCTCTCTAATTGGATTACCA  
ATTGTCAAAATCCCAGATGATGATTCACTAGCACTGAAAGAAAAAGAAAAAGAAAGGAGTCCATCGTGATC  
GGTGTGTGTCATCAGCCATGAGTGAAAAGGATCAGAAAGGAGCTGTGGAAGCAGATCAAGATACTGTTACC  
CAAGTTTTCTTCAAGAAAATGAAGGAAAATGAATTCGTGACATGAACTAGACTCACCCAGATCCAGTAACA  
AAGGAACAAAGCCTCAAATTGATGTTGGGCATTATCAGTTTGATGATGGGGGTGAATCAAAAGAGAACATTA  
CAAATCCCCTAGAATGAACTTGATCAGCCAGAAAAGCAACAAAGAGATTGATGCAACAAAGATGAGATGA  
ATTGGGATGGATCCATGGGTGGGTAAACATATTAAAGTGGAGTTTAAATGGAATTGGAGCCATTTGCTCCTT  
TGGTGTGTCAGCTGCCACTATTTGTATTCTGTTTCATGGAGGCAACCAACACAAGCTGAGAATCCAGATCTATA  
CCCATGATAAGAAATTAAAGCAAGCAGTTCAGCAAGCCACTAGATTAAATGAAGCAATCTCAGCAGCGGAGA  
AG

>trans\_c\_1862 AB263748|Ipomoea trifida DNA, self-incompatibility (S-) locus region, haplotype:S1

TTGGCCATACCATTGACCGGCTCACCCCAAATTTATGACTAAAAAATCTTTACCAGTCATTACACTCTCGCCAG  
AACGAAACCCACCGAAACTCCGATCCAATTTCCATCATGTCAACGCCACCGGTCACTCCCGTCCAACGCTT  
CTCCCGAAACCTAACCCTAACCCTAAACTAACCCAACCAACAATCAAACCGATCAACTTCGATTTACCGA  
CGAAGACGAAATCAATCTCCTGAAGTCCTACCTCAAATCTCAGATCCGAAAACCCACAAAGAATTCTCTCC  
CCTCTCTGATTCTCCGGCCTTCGACCGCCTTCAGACCGCCGTGCGCCCCAAATTCTCACACTCCGTCATCGCCG  
ATAAGCTCCACCGCCTCAAACCTCTGTACCACAAATTCGCAAGAACAAGTCCTTCATCAAAACTCCTACCAA  
CGTCAGATCCTCGACCTCGGCCGAGCATCTGGGGAAAATCCCCACACCTATAACAAGAAAACCAAGGTAA  
TTTACCTTCAAGGATACTTTACGAAGAATCAAACAGAGATCAAGCACTAGAAAAGAAGGGTTGGGGTGG  
ATATTGATCTGAAGAACTTCTGTTCTTGTGGCTGAATTTCTCAGCAGTTTCCGGGGAATGGGGTGTGGAG  
AGAAGGGCTGAGGAGAATGGAGGAGAAGAATTTGAAGGATATGAATGAGAAATGGGTTTTGTTGCATATTG  
AAGGGGCTGAGCTTAAGGCAAGAAGGGCTGCTTTATTAAGCAGCAACTTAAGAACTACAGAGACTAATGAA  
GATGTGAATTAGAATTATGATTTCTTTCTGATTTGTACAATACATAGTTACAGAAAGAGAGCATTTTCTTATTG  
TCAATGTTGTTGTGTTGTTCTTGTCTTCGATTATGAAGTTATGGTAGAACTAAAAATAGGTGCATTGTATTGT  
ATGATTGTATTGTTATTAAATCAGCAAGGTAAAGATTTTTTACCCATGCAAAATGTTGCTAAAAA

>trans\_c\_1863 AB294703|Hevea brasiliensis HbCMS mRNA for 2-C-methyl-D-erythritol 4-phosphate  
cytidyltransferase, complete cds, note: HbEST\_No.10832

GGTTTCTCTCACACTCAAAGCCTCGAGATGGCAACTGTAACCCGTTTTCTCCACTGAATTGCAGCTTCCCATC  
TTCTTCTTCCAAGCAATCCCAACCAACAACCAACTTCCCCCTAAATTCCTCCATCCATTTCTCATTTACCC  
CTCCACTTTCAGGCGTTCAGTATGATTTTAGGGGAAATGAGAAATTTCTCAAGTCCGTGATCAAAATGCGGAG  
CTGCCAAAGTTGGGGATGGCTCTGGGATTGTGAAAGAGAGAAAGTGTCTGTCTATTCTGTTGGCGGGTGGCA  
AGGGAAAAAGGATGGGGGCAAGCATGCCAAAGCAGTATCTTCACTTCTAGGTCAACCTATCGCTCTTACAG  
CTTGACACTTTCTCTCGTCTGATCGAGGTTAAGGAAATCATTGTGGTTTTCGATCCTTCTATCAGGATATTTT  
TGAAGATACCAAGAGAAGATTGATTTCAACTCAAATTCACACTTCCAGGAAAGGAAAGACAAGATTCCGTG  
TACAGTGGCCTTCAGGCAATTGATTTAAACTCAGAGCTTGTGCGCATCCATGATTCTGCCAGACCACTTATATT  
AGCAGGAGATATTCAACAGGTTCTTAAAGATGGTAGGCTTAATGGGGCAGCTGTACTTGGGGTTCCTGTAA  
GCTACGATAAAGGAGGCAACAATGATCGTTTTGTCCAAAAACCTTGACAGGAAAACCTTTGGGAAATG

CAAACCTCCGAGGTTATTGAACCTGAGTTGCTTAGGAAAGGGTTTGAGCTTGTCAACAGGGAAGGCTTGGAA  
GTAACCGATGACGTTTCCATTGTGGAGCATCTGAGACATCCCGTGTTCACTGAAGGATCTTATACCAATAT  
CAAGGTAACAACACCTGATGATTTACTTGCAGAGAGAATATTGAATTTGAACTCGTGAAAGTTCTCTTGAG  
GACTAAATAATCAAACCTCATCAGTTTACCACCATTTTCAACAGTAATTTAAATTCAATTTTAACATAA

>trans\_c\_1864 AB218879|Amaranthus hybridus mRNA for PGR5, complete cds

AGTGCAAGTGGGAATGGGAAAGCCGGTGAGATCCCGGCCGATGATGAAGAACGTGAATGAAGGGAAAGGG  
GTTTTTGCGCCATTGGTTGTGGTTACTCGGAATATCATCGGTAAGAAGCGCTTCAATCAGCTTAGAGGCAAAG  
CAATTGCCTTACATTCCCGGGAATCACAGAAATTTGCAAATCAATTGGAGCAGATGGAAAGCAGAGACAAG  
GGCTAATCAGGCTTGCCAAGAAGAATGGAGAAAGACTTGGATTCTTGCTGAGATTTATCACAATCTCTT  
CTTTGTCTCTGCTTTCTATCCCATTCTCTTCATCAGCTGTAATATTATTTCTTAAAACACACTCTTCTTTAGACA  
CAACAAATGCTTCATTTTTCTGTAATCAATATTCATAATCAAGCAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAACTTAACAAAACCCCCACCCCCAGGGGGGGCCCCGAACCCA  
ATCCCCCAAAAGGAACCCAAATAACCCCCCCCCCGGCCCCCTTTAAAAACCCCGGAACGGAACGAAAAACCC  
GGGTTTACCCAAATTAACCCCTTTAAACAAACCCCTTTCCCCCAGGGGGGAAAAAACAAAAAGCCCCC  
CCCAACCCCTCCCAAAATTTCCCAACCCAAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCGGAACCCCCCAATAAACCC  
CGGGGGGGGGGGGGTTAACCCCAACGGGACCCCTAACATTTCCAGCCCCAAACCCCCCCCCCTTTTTTTTTT  
TCCCTTTCTTTCCCCCCTTCCCGGTTTTCCCCGAAAACCCAAAAACCGGGGCCCCCTTAAGGTTCCAAA  
TTTAGTTTTTAACGCCCCCCCCCCCCAAAAAATTGAAAAAGGGGAAGGTTCCAGTATGGGCCCCCCCCCA  
AAAA

>trans\_c\_1865 EU159403|Solanum lycopersicum inositol-1,4,5-triphosphate-5-phosphatase (5PT2)  
mRNA, complete cds

CGAAGAACTCAATTCCATCCACTTAATGGTGTGGGTTTCCTAAAATAATCCACGACCACGAGCGGATAATCTG  
GTTGGGTGATTTAAATTACCGGATCAACTTGTCTTATGAGAAGACAAGAGAGCTTATCTCGAGAAAAGAGTG  
GTCCAAATTGGCTGAGAGTGATCAGTTATTACGAGAGCTTAGAGAGGGTCGTGCATTTGATGGATGGACTGA  
GGGAAACCTAAGTTTTGCACCGACCTACAAATATGAAAACAATTCAGAGAAGTATTACGGCGAAGATCCAAA  
AATTGGAAGGCGTACTCCAGCATGGTGTGACCGTATACTCTCATATGGAAGAGGATTGAAGTTGTGCAGTTAT  
AGGAGGACTGAAATTAATTTTCTGATCATAGACCAGTGACAGCCACCTACGTGGCCGAGGTTGAGGTTTTCT  
GTCCTCGTAAGCTACAACGTGCTCTAACATTTACAGACGCAGAGATCGAAAATGAGGAAATAGCAATGGATG  
TATACTGAACTTTTATCAGTTGCTTAATACAGCTTGGGTTAGAATTTATCTAATCTTTCATATGCCTTGAATCG  
ATGCTTGATATTGCGTATGGAGGATTCTTCAATCAACAAAGATGATTTGGAGTAGCTTTCTGGTGCAACAAG  
CATTTCAAGGTAAATCCAAAGAGCTCAATCTTTATGAAACCAAGTTTGGGCTATTTGGCTAACAAAGTTTGTG  
CTTGAGATCATGTAGCTCATGAACCTTGTGATTAACCTGTATTTACTCCATTCTTTGGATCACATTCTTCTG  
TAGTTAGAGATGTGTATTGATGTGGTTGTGTACATGAATTATCTCTAGGGTTTCATTTACAAAAGATATAGG  
AATGTACTCTTATTTTGTCTACTTGATAGGTTTTCCACGTATATGAGAGCTTAGCATTGTATAGCAATAAA  
GTTTGATTAAGATAATTTGGAGATTTAGTCATCTATCGTTTTGCTCTTTTATCGATTTCTGGAGATTTGGTG

>trans\_c\_1866 XM\_002886732|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata integral membrane transporter  
family protein, mRNA

AATCTTCTTAACCATCATTGTTTCGTGAACGCTCTCTTAATCTCCCTCAAAGCTCAACGAATGCTGGTATCAACA  
AACAACCTCAGAACTCGCAGCCGTGCTAAAAAGACCTGAAATTGCTTATTCCATAATGTGGCTTGCTGTATCT  
TACAGCATAACACCTGCATTGACAGGGACCATGTTTTTTTATCAGACAGAGCATTTGAAAATTGAGTCATCTGT

TTTAGGCATCTCTAAAGTTTTTGGCCAAGCAGCCCTGCTGTTATGGGGCGTAATTTACAATCGCCATCTGAAGT  
CAATCCCGTCTAGGAACTTATTGCAAGTATTCAGGTTTCAATGGCGGTGTTTATGATCTCAGACATGCTGTTT  
GTGAAGGGAGTCTATCGAGAAATGGGCGTGCCAGACTTCATATACGTTGTTTTATTCTCTGGACTTTCGGAGG  
TTCTGTTATTCTCAAGATCTTGCCATTCAAGTGTGTTTATTGCTCTGCTTTGCCACCAGGATGTGAGGGCTCTC  
TCATGGCTTTTGAATGTCAGCCATCGCCCTTGCGTTCATCGTGAGTGGATGTCTCGGTGTAGCGCTTGCTTCT  
TATGTTGGTGTAACCGCAAATGACTTTTCTGGCCTTGCTCGTGGTTAATAATACAAGCAGTGTGCACTCTTCT  
GCCACTGTCTTGTTTATGGTGCATTCTGATGATATCAAAGCCAAAGACAGAAGAAAAGACTCCAAAAACAG  
CTGTAACACTGTGGAAGACTTGATAGCATGGTCAGTGAATTCAGATATACAGATATATACACTCCATTGCATAT  
TTATTTCCGTTTGATAACGATTATTTTCATTTTTGTCTTAAAATTTTTATTTTTGTAGATTAAAGCGCACTAAGCT  
TTATTCAAAACAAAGAGAGTTTATCAACGGGTGCTAGTATTCAAAAAATTAAAGTTACTTTGATGATCCTACCC  
ATTAGCTTTTTGAGATGGGTCTAGGAATGTATAGTAATTTATCACGAACATCTCCCGTAGTT

>trans\_c\_1867 AF367255|Arabidopsis thaliana AT3g52990/F8J2\_160 mRNA, complete cds

CAGAACCAGGTTTTTCTCTATTCCCCTCTCGGATTCAGAGATAGAAAAAAGGCCATTTTCATTTTCGATTTCAT  
TCACTTCCTCTTCTTTTTCTTCTCCTTCTTCTCCTCCTCCTCCGATTTCCTCATCTTCTCTCAATCACCCCGAT  
TACCCATCGACCATGCACTCCAATCACTTGCTTCTCGAGGAGCCTATTCGCATGGCCTCCATCCTCGAGCCGTC  
CAAATCTAGTTTTTTTCTGCTATGACTAAGATCGTTGGGACTCTTGGTCCTAGGTCTCGATCTGTTGAGATTAT  
CTCTGGTTGTCTTAAGGCTGGAATGTCCGTTGCTCGTTTCGATTTTTCATGGGGTAACGCTGAATATCATCAGG  
AGACTTTGGAGAATTTGAAGGCCGCTGTCAAGAGTACCAAGAAGCTTTGCGCTGTTATGCTTGACACTGTGGG  
CCCTGAATTGCAAGTAATAAACAAAACCGAGAAATCCATTTCACTTCAGGAAGATGCAATAGTCGTCCTTACAC  
CGAATCAAGAACTCGAGGCGACTTCGGAGCTCTTGCTTATTAACCTTTACAGGACTTTCAAAGGCTGTGAAGAA  
AGGAGACACAATTTTCGTGGGTCAATATCTTTTCACTGGAAGTGAATCAACTTCTGCATGGCTGGAGGTTTCC  
GAAGTCAAGGGCGATGATGTTGTTTGTGTAATTAAGAACTCTGCCACATTGACTGGGTCACTGTTCACTTTGC  
ATGGCTCTCAAATTCATATTAACCTTCTACACTTTCTGATGAGGACAAGGAGGTTATATCAAGTTGGGGAGTG  
CAAAACAAAATTGATTTCTTTTCACTATCATATACCAGACATGCTGAAGATGTTGACAAGCTCGTGAATTTCTT  
TCTAAAGTTGGGTGACCTCAGCCAAACCCAAATCTTTGTCAAGATTGAACTGTTGAGGGATTAACCCATTTTG  
ATGAGATTCTACAAGCAGCAGATGGTATTATTCTATCCCGTGGGAATTTGGGGTATAGATC

>trans\_c\_1868 NM\_001061458|Oryza sativa Japonica Group Os05g0213500 (Os05g0213500)  
mRNA, complete cds

AATGTGAAAGAGAGTTTTCAAAGCATGGGAATGTGAATGGGTGGCTGTGGCACTAAGTTTTCTCTGCTCCAAC  
TACTCTCTATAGCCTTCCATCCAACACTCCTTATCCCTCAAAAAGTAAAACCCCCCTCTTCTTCTTCTTCAA  
CCCAGATCCATGGAGTCCCAATACATTCAAAGGCACCACAACCACAATCCCACACATGACCAGTGCTCCTCCGC  
CATTTTCAAGCACATCAAAGCTCCAGTTCACCTCGTATGGTCCTTGGTCAGGAGCTTCGATCGGCCTCAGAGGT  
ACAAGCCTTTTGTTAGTCGTTGTGTGGTGAGAGGAAATAGCCTTGAATTGGGAGTCTTAGAGAAGTTGATGT  
CAAATCTGGGCTTCTGCCACTACTAGCACCGAGAGATTGGAGCTTCTTGATGATGAAGAACATATACTTGGT  
GTCAAGATTGTTGGTGGTGATCACAGGCTTAGAACTACTCTTCGATCATCACTGTCCATCCCGAAGTTATCGA  
TGGAAGACCAGGGACACTGGTGGTTGAGTCATTTATTGTGGACGTGCCTGAGGGGAACACCAAGGAGGAGA  
CATGTTTCTTTGTCCATTCCCTTATAAACTGCAACCTCAAATCACTGGCTGATGTCTCTGAGAGGATGGCCGTG  
ATGCAGGATGCAGTGAACCAATTATCCATACCAGGTATAGCCAGAAAAGGTGTACAATCAATAACAAAGG  
AAGCGTTTTCTATAGATTTTTCTACGTCGCAGCAGATTTGCCATCTCATTGGAGACTACCCAGTATCCTCTTCT  
GATTTTGTTCATATATGTTTTGAATGTTAGGATGGTGTCTTTGTGTTGATAGTCTTGTTCAGCATTGTTTGC  
TTTGGATTTATGGAACCCCTAAAGTGGGAAAATGTGGAGTTCTGTTTTGTTTTTCACTGATTGGTATGTACGTA  
TTTGTGGTATAGAGATGCTTTGATCAGTGTATAGATACTTTGAGGTGTATGTATATAATATCAACTT

>trans\_c\_1869 XM\_002874085|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FTRA1, mRNA

AAAAATAAAATTGAAGGAAGAAGAATTTTTTTAAAAAACTCAAGAAACCATATTCATTTCTTCTTAGGCGAA  
AGAGTCCTCCAGCGGCACAGAAATGATCGGTATTGCGAATAGTATCGGCCTGATGCCTCCGCCGGTACCGTCG  
TCGGCGTCGGTGGCTGCACGTTTTGCCTGTTCTATGACGGTATTCTCTACTTCTGATGTTAGATCTTCCTTTTCG  
TCATCCGTTTGTTCTTTATCGTCAGTTGTTGTTAATCCTTTTAACTGCTCGATTGAAGAGGGAGAAGATTGTTT  
AGCGAGGTTTCAGTTAGATCAGATTCCGGAACCTTCATCTTCAGCTACTGCTGTTTCGGCGGCGACAACGTCATT  
GTCGGAGGAAGAGACTGATGAAGCGGCTGCCGCTAGAATTGGAGCGAGAGTTAGGGTTAAGGTGCCTTTGA  
AGGTGTATCATGTAGCGAAGTTACCAGAGGCGAATCTTGAGGGAATGGAAGGAGTGCTTAAGGATTATGTTT  
GTGTTTGAAGGGGAAGCGTGTTTCTGCTAATCTTCCGTATAAGGTGGAGTTTGTTGTTCTGTTGAAGGTGCG  
TCCACCAATCAAGTTTGTTGCTCATCTTAAGGAGGAAGAGTTTGAATACGTTTAATCAGGCTTGTTATTCATCA  
TCATCTTCTTCATTCTAATGAATCATCAAGCCAAGACAATTGTTGTTTTTCCGATCTCAGTATTAATACCAAGCTT  
CCTTGTCAGTATTATTGTCAACCTTTTAAAGGTTTGATCTTCTTCTATAGTTCTATCTACACCATTTACGTTTTCT  
TTGTAATGTAGAAAAATTGCTCGAATGTTTTCTTCTGAGCTAGTTAACTTTCTCGATTCTCGATTGCGTTTGT  
AAAATAATTGCGCCAAGACAAGAGGAAATTAATCATCTAATACATGTCTGATCCGAATGGTTTCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1870 AJ009987|Pisum sativum mRNA for chloroplast channel forming outer membrane protein

ATAGCCATGGCAGCTTGGGGTTTATAGGTTTTAGGGATATCGTTTCATTTTCAATTTCTTGCCTTCCATCTCC  
TCTTTTCTTTTCACTTCTCCTTCTTCTCCCATGGATACTTCTTTCAGATACGCCGGAGACTCCAGAGCCTTAA  
GAATCCACGCCAAGGAGAAGATTCTCTCGACTCCAACATTTTCTTGCAGGTTCTGTCGAGCTAGATACAAG  
AATAGGAGAACCGAGTCTCCTCGCTGCTTCCGTTAGACAATTTAACCAGGATTGTCTGCAAGCGCGGGTTTA  
GGAGTGCAGTATGATAAATATAAGAACTTCATTATGTTGGTCTGGGAAAATGTCTTTTCTGTGACTACCG  
ATGGTTTGTTGAGATTTACTATTAAAGGGCAATCTCATCTTGACAAGGATTTTAAGCAGATTAAGTACAAAGG  
AGCTGCTGAATTTTCTTGGGTGTATTAAATTTTCAAAGGGAACAAGATGTAAGAGTCAAAGTAGGTTATGAA  
GTGTTGAAAAAGATACCATACGTTTCAGATCAGGGAAAATAACTGGACACTGAATGCTGACATCAATGGTAGA  
TGGAATGTGAGATTGACTTATGAGAAATAGAAAGTTGAACCTTCTCCTTCATAAGTAGTAATTTTCAGCTGCGG  
GATTCTTTCTGAGATGTGTATTTACCTTCATTTCCATTGTTTCTATTCTATTCCGATAAGCATTGTCTCAACAAT  
TTTTAACGAATTGATACATTTTCAAATCCTTTATAATCATTGTTATTATAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCGCCCGCCCAAAAATTTATAAACCCCCAACCCAGGGGGGGCCCGG  
GCCCAATTCCCCCTAAAGGGGGTCTTATTACCCCCCCCCCGGGCCGTCTTTTAAACCTGGGGCGGGA

>trans\_c\_1871 NM\_104525|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family protein (AT1G56500) mRNA, complete cds

ACCTTGAAGTATCTTCCCTTCTCCTCCGCTTTTGTCTTCAGCCAGATTATGCTTCTTTCAAGTAAGCCAAAAG  
GAACAAAACCCACACCAGTTTCTTACTATCTTCTTCAATGGAGATCGCAACGCTTGTGGTTCCGCGGAAAATG  
GCGGTTAAAGCATGCGTGAAGGTGGAGGAGAGCAGTCCTAAGGAAAGCGCTTATAAGAGCGAGTGGGGTA  
AGGTTTCGGCAGTGTGTTTGACATGGATGGAGTGCTTGTAAATAGCGAGGACTTATCTGAAGGGCTGCGG  
TTGATGTTTTCAGGGAGTTGGGTGTTGAAGTCACTCCTGAAGACTTTGTGCCATTCATGGGGACTGGTGAAGC  
AACTTTTTAGGAGGAGTTGCATCAGTGAAAGGGGTAGCAGGATTTAGTCCTGAGGCAGCAAAAAAGAGGTT  
TTTTGAGATATATCTAAAGAAGTATGCAAAGCCCAATTCTGGAATAGGCTTCCCCGGTGCACTGGAACCTATTA  
CTGAGTGTAAGCAAGGGCCTTAAAGTTGCTGTTGCATCCAGTGCTGATCGTATCAAGGTTGATGCCAATTT  
AGCTGCTGCCGGGTACCACCGTCGATGTTTGATGCCATAGTATCAGCTGATGCTTTTGAGAATCTGAAACCT

GCACCTGATATATTCATAGCTGCATCAAAGTTGTTGAATGTGCCATCTGACGAGGTACAAAGATCAGCCACCT  
CTTTCTTTTTTTTCCACTCTCCATCTCTCTTTCTTCCAGAGCTGCCAATGTGTAAAGCCATTGAGTTTCATTTTCAT  
TCTTCCTTTTGGCATTAAAGACCTGCTGTACATTGCTTGTAGAATGCTCCTAGGCGTGCAGGATTTCCATTGTAT  
AACTATGTTTTGTTCTTTGATTTGTATATCAATGTAAAACTAAACCATATGCCTACCTTTAAAAGTTTACTTTTC  
CAGGTGGTTTCCTGCAGAACATCCTAATAAAGTGGTCTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1872 EF467641|*Epilobium amurense* chloroplast small heat shock protein gene, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

TTTACATCAGGTTCTTTGAAACTGAAAGCAGCAAAAAATAACTACACCTACTCTCAAAATCTAATCCCAACTCTT  
CACTGGACATTAATGTCCACAATTTTACTTGTAGCCATAGCCTTTGGTATTGTTATGTACAAAACCCCATCCTTT  
ACCTCTGCCTTAATCTGCTCAAATTGAACATTCTCAGGCAAAGCAATTCTGCTACTATATTTTCCATAGCTTTTA  
GCAGACCAATCTCCTTCTTCTTCAACCTTTCCATTTCTTCACCAGCCTTCTTCACCTTCTCAGCCTTCACAAC  
CAACATCTTCTCCTCCACCCACACCTTCACATCGTCCTTCGTACATCCCGGCATGTCAAACCTCATCTTATACTCA  
TTTTCCCTTCTCCTGATCTCCCATGGAGTTCTTCCCTACTGTACCCAGCTCCTTCGCTGGTAAATGGAGGCGAT  
GGCCATGCTCCCGAGTAAGCAAAAGGATCATCCATTATCCTCTCCATTGTCTCCATCATTGCTGTACCGTTCTC  
GCCGTCGGAAATCGATCCCAAAGCCCAATTGGAGCAACAGGAGCTACTCGTTTCTTCGGTGGCTGAGTTGTTT  
GTTTTTCTTTCCAATAGTTCTCTGTAAGTGATCGAGATTATCTCTGCCATCCCCTGCCACGGCTTTGACGTTAC  
TTCTACGAACAACTTCTTGGGATCATTGGAGGCGGCTTTGGTAGGGGTAAAGGAGACGAATCGAGTAAGAT  
TTGATACTGCTTGAGCCATTCAAACGGAACCTTGTAAGGCAAGTTTGAAGTGAGTTGTAGGCAGTAGTAGG  
AATGAGGATCGTGTTAAGGAAGTTTTAGGTGATGAGAAAATCGACATTGTTGGAGTTATAAAAGGATGGAGA  
AGGAGGGTCTGGAGATGGAAGGAACTGGAACCTCTTTCGTTCTAGATCTCTCCAGAAATTTAGCCATCCAA  
CACAATTATCCTCTCTTCTATTCTAATAATTCTACTTCGTAAATTCAAATATATCAACTA

>trans\_c\_1873 NM\_113263|*Arabidopsis thaliana* diene lactone hydrolase family protein  
(AT3G23600) mRNA, complete cds

AGGGCTGAGGCAAATTCGATTTTGGGTGATTGAGGAAGTTCAAATCCAAACGCCATTTCCATCTTTTAAAGCAT  
TTTTCTACTTGCTTCCACTGAAATCAGTCAGAGTAAACGAAGGATCCTCATCGAATACAAAATGTCAGGTCC  
TCAATGCTGTTCAAACCCACCAACTCTAAACCCAGCAGCGGCGCCGCCATATCGAACAACCTCGGCGGCCTT  
ACCACCTACGTCTCCGGCTCCCCTGACTCCAAAATCGCGGTCTTTTTATTACCGATGTCTACGGATTGGAAGCT  
CCACTTTTAAAGGAAGCTAGCAGATAAGGTTGCAGCTGCTGGGTTCTTTGTGGTTGCTCCCGATTCTTCCATGG  
AGATCCATTTGTCCAGATGATGCTAATAGGCCCATCCGGGTTTGGCTACAAGATCATGGACCTGACAAGGGT  
TTTGATGATGCGAAGCCTGTGGTTGAAGCTCTGAAAAACAAGGTATCTCAGCGATTGGAGCCGTAGGCATT  
GCTGGGGTGCCAAGGTTGTCGTTGAACTTGCAAAAGTGGAGTTGATTCAAGCTGCTGTGTTGCTACATCCTTC  
GTTTGTCACTGTGATGACATCAAAGGGGTCAAAGCTCACATTTCAATACTAGGAGCGGAGATTGATCATATG  
TCTCCTCCAGAACTTTTGAACAATTTGAAGAAATCTTGTCTGCAAAGCCTGAGGTGACGGGTTCTGTAAAGA  
TCTTTCAAAGGTTTCTCATGGGTGGACTGTGAGGTACAATGTGGAAGATGAAGAGGCTGTCAAATGTGCAG  
ATGAAGCTCATGAGGACTTGTGGCTTGGTTTACTAAGTATGTTAAGTAATTGGATTGGCCATTGTCAATCCTT  
CTTGTTAGTATCTTTGTGTTGTAAGCCATTTTACTGTTTAAAGCTCAGAATAAGAAGTTTGAAATGCAGCTGCA  
GCTGCTTTCTAATATCTCAGTAAAAACAAGGAAACAGTCATAATATTAGCAGATTTGATGATGATCATGC

>trans\_c\_1874 Z97336|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 1

ATGAGCAGACGTATAGACGAAAGGATTTATATTTGTAGTACACGTCATTGATCATATCGGAGAAAGGCATCG  
GAGCAGCTTTCTTTTTTCCAAATCCATATTTTCTTTTTGTTTTGTATAAAAATGGCAAACCATCTCCCCTTT  
ACTTTTATCCGCTCCTCCGATGCACAAACATCCCAGCATTTCTTCTTCTAATGCCCCGCCAATTTCAATTTCTTTA

CTTCTTCCCAATTCTCCTCGCCGTCCTACTCAGATCTAGGAAATGTTTTATGAAGTGGAAGTACTAGTGAGAGATGT  
GGAAATCACAGTGGAAAAGGAAAAGAGAGATGCTCACAACCTCCAGAGGTACATTATAACATGCTTATTAGA  
AACTTACTGAAGGAGAAGGCCAACAAAGACCATGGCTATTTTCTTCTGTTACTAGCTTGAAGAGCATAGGC  
AAGGGAGTTGTTAAGAATGAGTCTCAATGTGTTTCATTCCCCATTACCTTTATTTGCCGAACCTTTTTGCCTTTT  
GAGGGGGAGATCTTACATGGAGTTGTTCTGCACATATTTACGCGTGGATTACTCTTAAAATGTGGACCGATCA  
AGTACGCATTTCTTTCAGCTCGTAAAATGCCAACCTACCAGTATGTTGGTGGTGAAGTCTGTATTCTCAAGC  
AAAGAATTTGCTACGATTGGAAACGATGTTGTTGTACGGTTCAGTGTGCTTGGTGTGAGATGGATAGAGAAA  
AGAGGATGTATAAAAAAAGAGTTTGTGATGCTTGCTAGCTTAGAAGGTAACAACCTCACTTGGACCTATTTTCA  
TGTCGGACTCCGATGAGTTTGACCTGCAAATTTAGAACACAAACCACAACTTGGAATGTTTCACTGTTATAT  
ATTCTCTTACAAGCCTTGGTTTTTCTTCTTCCCTTTTATATCCGTTTCGATGTTCAAAGTCCATGATAATTCAAG  
ATTCTGTGGAATGTTAATTTGAATGTCTTGCATTTAAGACATTTGAGGTCTGGATGTTTAAATC

>trans\_c\_1875 DQ447159|Nicotiana tabacum NAK-type protein kinase mRNA, complete cds

TGTTGGTCTATGAATTCATGTCTAATGGAAGCTTAGAAGATCATCTCTTTAGCAGGAGTAGGACTCTTTTGACT  
TGGAAAAGTACTAGGCTACAGATTATCCTTGGTGCAGCTCAAGGATTAGCTTATTTACATGAAGGATTAGAAGTCC  
AGGTGATTTATCGCGACTTCAAATCATCAAATGTACTATTGGATGAAGAATTCTCTCTAACTTTTCGGATTTTG  
GGCTTGCTAGAGAAGGACCAACTGGTGATCACACACATGTGTCCACTGCAGTGGTTGGGACATATGGATATG  
CAGCACCTGAGTATGTCGTCACAGGACATCTAACAATGCAAAGTGACATATGGAGTTTTGGAGTAGTGTTGTA  
TGAGATCTAACAGGCAGGCGAACTCTTGAAAGAAACCGCCCAACTGGAGAGCAAAGCTACTGGAGTGGGT  
GAAACAATTTCTATAAATAGTAAAAGTTTCAAGACGATAATAGATCCTCGGCTTCAAAATCAGTATAACCTGG  
CAGCAGCTCGAAAAATTGCCAATTTAGCCAGTCAATGTCTCAACAAGACTGCAAAGATCGACCAACAATGTC  
GAAGGTCGTTGAAATCCTGAAGCAAGCACTAGAAGAGTCAGAGAAGAATGTTCAAGTTATGAGGATTGCTGTG  
GTGTTAACTGAAAAAAAAGCTGAAATGGTTGATGATGCTGAACTTGTCATCTAAAGTCTCAACAACAACAGT  
CACAGAATAATGAAACAAATTGGTACTTGCTATCACTTTTTTGTATGGAAAAGCTTAGGGTAGGTGCCTAAGC  
CTTCTCTTCTTTTGTGCCTGCCAATTATATTACTCTTGAAGTATTGTTCAACCATCTGAACAATTACCTTTTGGT  
CTTAGCTCTTCATTCATCATCTTAAAGATAGACGAGTACTAAGGGATAGGGGGAAGTAGAAAGATTAGCTGAT  
TGATTGATTGATTTATTGCTGTTTTAAGATGCAGAGTTTATGCCGTACATAATATAAAGTTTAAAGTTTGT

>trans\_c\_1876 NM\_202830|Arabidopsis thaliana metal ion binding (AT4G16380) mRNA, complete cds

TATGGTGTGAAAGTTGACCTCGAATGCCATCGCTGCTACAAGAAAGTTAAGAAAGTTCTTGCCAAATTCCTC  
AAATTCGGGACCAGGTTTATAATGAGAAACAGGGGTTCTGTATGATCAAAGTTGTGTGCTGTACTCCTGAAAA  
AATCATGAAGAAAATTTGTTCTAAAGGCGATGGATCCATTAAGCATCGAAATCAAAGAACCCGAGAAAAA  
GAAAGAAGAGAAAAAAGAAGAAAAAGAAAGAGGAGAAGAAAGAAGAGAAGAAAGAAGAGAAGAAAGAAAG  
AAGAGAAGAAAGAAAGAAGAGAAGAAAGAAGAGAAGAAAGAAAGAAAGAGAAGAAAGAAAGAGAAGAAAG  
GAAGAGAAGAAAAAGGAAGAGAAAAAGGAAGAAAAAAGGAAGAGAAGAAAGGAAGAGAAGAAAGAAAGGA  
AGAGAAGAAAGAACCGGAGAAACCAAAAGTGGCGGTGCAACCGGTTCAAGGCTATCCACCGCCGCCATACTC  
TGTTACGGCGGTTTCATTTTACGAGGGTCAGCCTTGTTACCAATACCACGGCTATGGAATACCGGCGGCGGCG  
CCACCACCCTACTACGTGGGTAGGCCGATTTACGACAGCTATGGTGGTGGTTACGGCGGTGGATACGGCGGC  
GGAAGGGGATATTATGCGGGGCCTTCATCTGATTATTACAACCCAGAAAATCCAACACATGTTCTGTAATGT  
GAATCAAATCCGATATAAGATGAGACCCATGTTGTAATTGTGATCCTCACGGTAAATCATGAACAATGTTGA  
AAATCTGTGTCATTTCTGTTTCTTTTCTTCTTTTTTCTTTTGTGTTGAAAATTAGAAGCGTTTCTTTTAAGAA  
AAAAATAAACAGGGGAGAAATGAAATAGAATGAAAGGGTACTTTTGTTTGTTGATTACGTGTATAAATTA

TAAAGTTTGTCTTTTTTATAGATTCTCTCAACCAACAAATTATCAATCCTTTTTTATAACATTTGTATACAAAAA  
TATGGTTCAACTAA

>trans\_c\_1877 AY103857|Zea mays PCO135707 mRNA sequence

TCTTTATATCGTGGTTGCTAATCCAAATTCGGAGGGAAACGGGAGACGAGGGAGTGCGGGAGTTGATTTCAGA  
CGGAGACAGCGCCCCCGCCTTTGTCCTTTCTTCTTCTTCTTGTCCATTACTTTGGTGTGCGGTGTGGCCTC  
TCAGATCAAAAATTTTGAGGCAAGACTTTCCTTTTGACCGCATCATTTCAATGGAGTTAAACGGCAAATCCATG  
GTCTCAGAGCCTGCAAATGTTATTTATCTTTCAACTATTCTGGGTAGAGATGGGCAAGTTCTTTCCACAAATG  
TGATTGGAAATGTGAGAATGAACATGTGTGTGGTAATATGTACCGCTGCAAATTTACAGGAATGACTCACATT  
TGTGACAAAACTGTGACCAACGAATTCTGTATGATAACCATAGCTCACTTTGCCGTGCAAGTGGGCAAATAT  
TCCCCCTTTCCTGACAGAGGAACATGCAATCAGAGGCATTTCGAGGAAGTTTGATGCTGACAATTCCTCCGTT  
GATGACTTTGCTTTAAGCGTAGGCGGGATGCCAGTTTCATCCTTACCTTTTGAGAGATCTTCTCTGCTGCC  
GTCCAATTTGCAGTCAAGTTGGAGATGGCATGGATATGAGCTAGATTTACATATGAAAAGGAGGGGAAAA  
CTGGGGCTTATCTATGCTGTTCTTTGAATAATTCCTCTTTTTTTTTTTTTCTTTTTCTTTTTGTTTTGCC  
TACGGACTGATATCATATAATGGACTTAACCTGCGGGTACTTGAAGTGATGAACCTTGTATGTCCACCTGTT  
TGTAGGAACGCTTATATTCTAATCTTGTTAATGCCAATATGTAGCTGACACTAGATTGACTATAACAGCTGG  
GATGGAGCAGGATGATCATGAACTTACATTTATAATTAGAATTTACGTACCCTGTATCATCTCAACATTTACTA  
TTGTAGCTCTAAAGGCTTCCTTAGTATCATTTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1878 NM\_001071197|Oryza sativa Japonica Group Os10g0430800 (Os10g0430800)  
mRNA, complete cds

GGCTTGCTCCGTTTAGTCCCGGTGTTTGGTGATCAGAGCTCCGACATGGGTGAAATTTACATGAGCTCGAAT  
ATGTTCTCAGGTCCAAACCGAACGGTTTGACGATCGAGGAAGCGATTTTGCTCAAACATGTAGGTCTAAGGC  
TGTTTCGAGATTTTACATTTGGTGGTATCCTTGGAGGTGGCCTGACATGGGCAGGAACATGGAGGCTGAATAA  
ATTTACTCGGCTAAATCTTCCGGAGGAGCTGCTGCGCTTTGTGGATTTTGAGATTTAGCAGGTCCCTAACT  
CATGTGTCGATTATATTCTTTCCTGATGGAAGTAGGATGCAAAAGGAATTGGCAAATATTGTTGTGACGAG  
ATATCACAATGATCCTCGTGCAATGCAGTACATATCCAAGCATTTTTTTATGAGGAAGTGTGACGATTCAA  
CCTCGGACCGGCCAAAAATAAGGTGGCGTTATCGAAATTTCTTAGTGATGATGTTGCTCATTCTCAGAGGAC  
GCATGGTAATGACAACAACGTGCATGAAAACCTCCCAACGTGATTCCAGTGCACACAGCGGATTCTATGGT  
GACTCCGATGACAAAGGAAATGCTCATGAGTTCAAGCCAGTCCTCACTAAGACTGGCACCGATTCTGCGACGG  
CAGACCCTCTAGATTGTATTTTGGTACATTGGCCAGAGAAGAAGAAATCAACACTCGACTCCCTCTACTCCA  
TCTCCGAAGCCTCACTCTCGTAGCAGAAGATACAATCGTCGGCATCGAAAAGATAACCAGACAAAACCAACAA  
ACTTTGAATATGTGTAATTTAGGTTCTATCCATTCCAAGAAGATTTCAATTTCTGTTTTTAAAAGAAACGAAAC  
ATTCCATTCGTAGAAATAAAGAGAGACATCTTGTACCTAACCATGCTATTGAAGAAGGAATGTTAAGACATTT  
ATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1879 NM\_001070153|Oryza sativa Japonica Group Os09g0507800 (Os09g0507800)  
mRNA, complete cds

CTTTCACAAGCTCGCGCAAAAATGGCACCAAAGAAGGCTGTTGGGAAAGCCTTGGCAAAAAGAAGCCCGAG  
AAGGTGGTGAATCCACTATTTGAGAAGCGTCCAAAGCAATTTGGAATTGGCGGGGCCATTCCACCAAAGAGG  
GATTTGACAAGGTTTGTTAAATGGCCAAAAGTTGTTCAAATTCAGAGAAAGAAGCGGATTCTTAAACAGAGGT  
TGAAGGTTCCACCAGCTTTAAATCAGTTCACCAAGACCCTTGACAAAAATCTTGCTACAAACCTGTTCAAGATG  
CTTTTGAAGTATAGGCCGGAGGACAGATCACAGAAAAGGGAGCGTCTTCTAAAAAGAGCTCAGGAAGAGGC  
TGATGGCAAGCCACATGATGCTAAAAAGCCTATTGTTGTGAAATATGGTCTCAACCACGTGACCTACCTTATTG

AGCAGAACAAGGCTCAGCTGGTTGTCATTGCACATGATGTGGACCCGATTGAATTGGTTGTTTGGCTCCCAGC  
TCTTTGCAGGAAGATGGAAATCCCATACTGCATTGTGAAGGGAAAAGCACGATTGGGATCGATTGTCCATAA  
AAAGACTGCATCTGTTTTGTGCTTGACGACTGTGAAAAATGAAGACAAGATGGAGTTCAGCAGGATTCTTGAA  
GCCATCAAGGCCAATTTCAACGACAAGTACGAAGAGTATAGAAAGAAATGGGGAGGAGGAATCATGGGCTC  
CAAGTCCCAGGCTAAAACAAAAGCGAAGGAAAAGCTGCTCGCCAAAGAAGCAGCTCAAAGAATGTCTTAGG  
GATCATAGTTGTTCTCTTATAATTTGCGGATTTTGCTTTAATGGAAAAAAAACCTCCATGGAGACTTGGGTAT  
TATTTTCAACCTCAGAATTTAAAAAGTTTGTTACTTTATGGTTGTTTTGCTTATTGGCTGATTCAGATCTAGAT  
TTGATGTTTCGCACTCTCTACTTTGTTCTTTATGTTATAGTGAATTTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_1880 FJ592190|Nelumbo nucifera cultivar Mei Ren Hong starch-branching enzyme I (Sbel)  
mRNA, complete cds

ACATTTTATAACCATGGCCTTAGGTGGGGAAGGCTATCTTAATTTTCATGGGAAACGAGTTCGGGCATCCTGAG  
TGGATTGACTTCCCACGAGAAGGTAATGGGTGGAGTTATGACAAGTGTAGACGACAATGGAATCTGGCTGAC  
ACAGACCACCTGAGATACAAGTTTTTGAATGCTTTTGACAGAGCAATGAACGCCCTTGACGAGAAGTTTTCTT  
CCTTGCATCAAGTAAGCAGATTGTGAGCTGGACAGGTGAAGAAGATAAGGTGATTGTCTTTGAACGTGGAGA  
CCTAGTGTTTCGTGTTCACTTTTCATCCATAAACACATATGACGGATACAAAGTCGGGTGTGACTTACCTGGCA  
AATACAGAGTCGCACTTGATAGCGATGCTGGGGACTTTGGCGGATATGGAAGAGTAGGCCACGACATTGACC  
ATTTACATCCCCAGAACGAATCCCCGGGGTGCCAGAAACAAATTTTAATAACCGACCCAATTCCTTCAAAGTT  
CTTTCACCAGCTCGAACGTGTGTGGTTTACTACAAAGTTGATGAAAGCAAAGAAAAAGAGAAAGACGATTTA  
GTTGGTAGTGTGCATGAGGATGTTTCTGCAAGGCATGTAGAGGAGGACAGTGAAGGGTTGGCAGGTCGCGA  
AGAAGAGAATGACATTGCTGTAGGCAAGATTTCAAAGACCGAAGACGATGATATTGATACGAGCAAACTGA  
AGAAGATGATGTTGACTCAAACAAGATTGAAGATTGCCAGTGAGAGGGAATAGAGCAAAGATATCTGATTG  
AGTAGAAAACCTGTATGCTTTTACAAGTACAATGAGTTTCTAATGTAAATATATAAACTAACTCAGCGTATA  
CTTAGCCAACTAAAGAATTCCAATAAGCTAAAGTCCACTTATAAATTTACTCTTAAGTTTTAAGTGCCACCTCA  
TTGCACTTCTGGGGAAAGTTGGGGCAGTAAATTTGAAGATAAAGTAAATTGCATTCCATTTTTCGTTTTATG  
TTTT

>trans\_c\_1881 XM\_002310708|Populus trichocarpa cc-nbs-lrr resistance protein, mRNA

CGACGAACTATCCTCTCGAAGTTTAGTTAATTATGTCACGACGAGAAAAATATGGATATGATGATGACTTCTATG  
AAGAGTACTCTTTTACTCAGCATGATATTCTTAGAGATTTGGCTATCCACTTGATGAATATGGAGCCCATAGAA  
CAAAGGAAAAGACTGATCTTAGACATTAATGAAAACGATCCTCCCAAATGGTGGGTTGATCAAGAAAAGCAT  
CCTTCCTATGCCAACCTTATATCTATAACCACAGATGAGAGATTCTCAGCAAGTTGGCCTGACATGGAAGCACC  
TGAAGTGGAGGTTCTGATTCTTAATCTTCAGTCAAGAACTTACAACCTGCCTGGGTTTCATCAAAAGAATGAATA  
AGCTGAAAGTTTTGGTAATCACATATTTTGGTTCTTTTCTAACTGAGGTGACAAGTGAAGATAATCAACTACTC  
GACTGCCTAACGAGTCTTGAACGAATTAGGTTTCGAGCGGTTTTTCAGTTTCTATCTTTAGTAATCCAAACCCGAA  
ACCGCTGATAAATTTGCAGAAAATATCCTTCTTTATGTGCAAATTTGGTCAAACATTCATGGACGTTTCAACCCC  
AATCTCAGATTTGTTGCCAACTTGCTGGAGATTTCCGTAGACTTTTACAACAATTTGAGTGCAGTCCCCAATA  
GGTTGTGTGAAATTGTCAGCTTGCAAGCTGAGCATTACAAATTGCCATGGACTATCTTCCTTGCCAGAAGA  
TGTAGGAAAGTTGATTAATCTAAAAAATCTAAGGCTAAGATCTTGCAATTCATTTAGAAGAGTTTCCCGAGTCG  
ACAACGAAGCTTCGGGAATTAGTCCTGCTTGATATATCTAACTGTCTTGGTCTTGCCAAGCTTCCTGAGAAGAT  
TGGTGAATTGCATAATTTAGAAAAGCTTGACATGAGGCACTGCTCAAGTTTGCGCAAGCTGCCATTGTCGATT  
GGAAACCTGAAAAGGTGAAGTTTTATGTGATAGAGAGGTTGGAGAGTGGNTGAAAGAAGGTTGCG

>trans\_c\_1882 XM\_002307947|Populus trichocarpa type-a response regulator, mRNA



ACCCTCCATTGTTTCCCTTTCAAAAACCCACCTAATTAACCTTCGTATTTCAATTTCTCTCTCAAAAATCCCCTTCTT  
CTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCTGCTATGGGATCTTCTGTTGCTGCAATGGGCATGGTCCCCGACTCCAAATT  
CCATGTTCTTGCTGTTGATGATAGCGTTATTGATAGGAAATTGATTGAAAGACTCCTTAAAACCTCCTCTTACCA  
AGTCACTACGGTTGATTCTGGGAGTAAAGCTCTGGAGTTTTTGGGTTATGACCCTGGAAATGGCTCGATTCTT  
TCTGTTTCATCTAACCATCACCATCATCATCAGGAAGTGGATGTGAATCTTGAATTACTGATTACTGTATGCCT  
GAGATGACTGGCTACGATTTGTTGAAGAAGATCAAGGGGTCTACAGCTTTGAGAAACATACCTGTTGTGATTA  
TGTCATCTGAGAATGTGCCTGCCAAAATCAATAGATGCTTAGAAGAAGGAGCAGAAGAAGTCTTCTTGAAACC  
GGTCCGACTTTTCGGATGTCAACAGGCTTAGACCCACATGTTAAAAACCAAACCTCAAATGTGACAAACTAGAA  
AGAACATCAGAAGACCACCCTGATTCAAGCCAATCTCAAGCACTAGAACAACAACAACCACGTGAACAAGAA  
CAATCACAACCGCTACTGCAGCAGATCTCGACATCCCTGCAAGATCAAGATCGAATACAATCTGTACCCTTCT  
GCCAACACCACCACAGGAGCAAGAACAGTTGCAGTTACTCCCACCAACACCGCTCAACAATCGAACAACAGA  
AGGAAGGCAATGGAAGATGGACTTTCTCCAGATAGAACAAGGCCTAGATACAATGGAATACCACCATGGTGT  
AGCTAATATGGGAAAACTTTTTTCTTTTTAAATTTCTTTATTTTTATTTCTACCCATTTTCATCTCAATGCTGG  
ATAATACAGGCTCTCCTTAGGAATGTAGAGAGCGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1883 NM\_001050917 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0771100 (Os01g0771100)  
mRNA, complete cds

ACGACAAAATCGGAGAAAAATGTTGAACAACTGATGGCCGCACTGCGGTGGCTCTCCGGAGTGGCAGCCG  
GCCGTCTCTCATGGTCACTTGCCGCCATTGACCTCCGCATCCTCCGCCGTCAACTCGTTTCTCCTCCGCTCCCT  
CAAAGAACACTATCTCGAGATCACCAGAATGCCGGCTCTCCAAAAGTGAGCCCTCCTTCTCCTTTTCTATCAT  
CACAGGCGCATTAGACGGCCATGGACCGGTGCTTACTAAGAACTACGGTAAAGAAGAGGTTAACATTTCCGGT  
TATGCGATTGTCTAATATTGTTGCGGGAGGTGGTGGAGACAACGATGACGATGACATTAACCAAGTTGTTTCTT  
CATGTGAGTGTATCGAAGCCGGAGCAGAAGGATACTTGCATTTCTTTGTGGGTGTATCCTGATGCGTTAG  
GTATTCATTCCGTTTCGATGAGACCGAAAGGCGAATCTTCGGGGTTCGGGGTTTCTCCTTGTCCGTCCAGCTAT  
AATGGTCCTACATTGAAGATCTGGATGAGAAAATGCGAGATATGTTTCACAATTATATAGAAGAGCGAGGT  
GTGAATGAGTCTCTCTTTCCATTTCTTCAAGCATGGCTTTATGTGAAAGAACATCGAAATCTTTGCGATGGTTC  
AGATCAGTTGGCACATTCATCTATGAGCCCAAGAATGGTAAAAAGGATTGATAGTTAAAGCATTGGATAGAA  
AAACTGTTGGTCTGGATGCTTTGATTTCTGTTGAATTCAGGGTTCATCTTCAAATTGGTTAAGGTGTATAAGG  
TAAATGGTCCATTTGCTTCCATTATACAATTTTGTAAAGCCCTTATCTCTTCTTGATAAGCCATGGTTTTGTTTT  
TCAAATGTGATTGATTAACGTTGAATTCGAGCACTCAACGTTGCAATGATCTTTGTTTGAAACTATATTTCTCT  
TATAACCATGGGTATATGCGCGGCTTGCCGAGCATATTAGACTAACTCACAGCATCCATGTCAAAT

>trans\_c\_1884 AF004812 | *Mangifera indica* beta-D-galactosidase (SP26) mRNA, partial cds

TGGATTTTACTGTTAGAACTTTGAACCAACAAGGCTTATAAACCCAAAATGTGGACAGAAGCTTGGACTGGT  
TGGTTCACTGAGTTTGGAGGCCAGTTCTTATAGACCAGTTGAAGATTTAGCTTATGCTGTTGCAAGATTCAT  
TCAGAATCGTGGTTCTCTCATTAAATTATTATATGTACCATGGAGGAACCTTTGGCCGAAGTCCCGGTGGAC  
CTTTCATTGCCACAAGCTACGATTATGATGCTCCGATCGATGAATATGGCCTAATAAGACAGCCAAAATGGGG  
TCATCTGAGAGATTTGCACAAAGCCATCAAGCTATGTGAACCTGCTTTAGTATCGGTAGATCCTACGGTGTCAT  
CGTTAGGAAGCAAGCAAGAGGCTCATGTCTTCGACACAAGATCAGGGCAGTGTGCTGCTTTTCTAGCAAACCT  
TGATCCATCAACTTCTGTAAGAGTCACCTTTGGAATCATCCATATGACCTGCCACCTTGGTCCGTCAGCATCCT  
TCCTGACTGCAAACTGTCGTTTTCAACACTGCAAAAGTCAATGCTCCATCCTATTGGCCTAAGATGACGCCAA  
TTAGTTCAATTTTTCATGGCATTATACAATGAAGAACTGCTTCTGCGTATGCTGATGATACAACCACCATGGCT  
GGGTTAGTAGAGCAAATAAGTGTTACCAGGGATGGGACAGATTATTTGTGGTATATGACAGAGTAAGAAATC  
CTCCATCCATCACAGTTTTGCTCTTTGTTGAACATTTTATTGAAAAATATTTGTAATAAATCGACTATATCTTACT

CTACCTCATGTTTATCTTGCTCAGTATAAGGATCGACTCGAATGAAGGCTTCTTAAAAAGTGGACAATGGCCTC  
TTCTCACCATCTTTTCAGCAGGGCATGCTTTGCATGTGTTTATAAATGGCCAACTATCTGGAAGTGTATATGGG  
GGGTTGGATAATCCCAAATTAACCTTCAGCAAATATGTTAACTTAAGGCCAGGAGTTAACAAGCT

>trans\_c\_1885 AY070475|Arabidopsis thaliana AT3g04610/F7O18\_9 mRNA, complete cds

TGAGATGCAAGCGGTTATGGATAAGCAGCCCCATCATGGAATTTCTGCTTATGGAAGGGAAGCTCCTATGGG  
TGTTTCATGCAGCATCAAATGCACAGTCGGCGCCATCAATTGTAACCCAGACAACCTCATCAAATGCAGATCCCG  
TTATCTTTTTCGGATGCTGTAATTGGAAGTCTGCTGGTGTAGTATTACCTACATTCGTCGTGCTAGTGGGACAAC  
ATGTTACTATTCAAGAAACGAGGGGAGTCCCTGGGGAAATGACGGTAGAAATGAATGGAAGTCTTCTCAAG  
TTCAAGCGGCCCAGCAACTTATACAGAATTTTATGGCCGGTGTGAGCTCCAGCCCAGCCTCAAGCCGGGGT  
ATCAACAGACCAAGGCTACAACCTCATATGCTGCTCATGGTTCGGTGTACGCATCTCCCCCTGCAAAACCCTGAA  
GCTCATGCTGGAGGATACAGCTCTGTCTATGGTACGAATTATGGGTACTAAGCCTTTGGCCACTCGAACCACA  
TCATCATTAGAAAGATTTGTATCATGTAGCCGTTTTTTAAATCATCTTTTTTGAACATACTCTACCTGAACGACTT  
ACAACCGTTCTCTAAAATAGCCTATTTGTGTGGTTTAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGC  
CCCCCCCCCCCCCAAAATTTATCCAAACCCCCCAACCCAGGGGGGGCCCGGGCCCCAATCCCCCAAAA  
GGAGGCCAATTACCCCCCCCCCTGGCCCCCTTTAAACCCCGGACGGGGAAAACCCCGGGTTACCCAA  
ATTAACCCCTTGGAACAAATCCCCCTTTCCCCGCTGGGGAAAAACAAGCCCCCCCCCATCCCCCTTC  
CCAACAATTGCCACCCCGAAAGGGAATGGGAACCCCGGACCGGCCATTAAACCCGGGGGGGGGGG  
GGG

>trans\_c\_1886 FJ708650|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAACTT  
AAAGTCAAAGCCTATCTTATTCAAAATGTAAGGGTAACCAAATCTATACGAAGCATGAAGAACTAAACACAA  
CCCTCAAGTTTTGTTTGTAAAAAAGAAGAAATAAAAGTTTCGCAATTTGATAACAATTACAATACAAATCTTCT  
TCGAGAAATAGATCCAGAGAAGATGAAGAAGGCCCAAGATTTATAACACAACCTCCGAAGAACTATCCA  
TATTTTCAAGTACGATGATTCCATATTCACCTCGCCACGGGACTTGAATCGGAAGCATTGATTCTATAGAGAT  
GGACCTCGTTTCAGGGAAATTTGTTGATTCAAGCGAACCATTCTCATGTTTTCGACTCAATGCTGTAGCTAAGC  
AATCTTTGAGTTCGCCACAACGTCGCTCATCGTCGGCCTTCTACTGGAATTTGCCGCTACACAAGCCATTGCC  
ACTTCCACAGTCTTCCAACAGAGTTTCTTTCATATTGCCCTTCTAATCTTGGGTCCACTATGCTCTGAATATCTC  
CTTGCGCTATCAGAGAGAAAAAGGAAAAAGAAAAACGGAAAAATAATCAAGTTGATGGCTGATTGAACTAG  
TGCTTACTCTGGATCAAGATAACCAGGAGTGCCAGCAACAACTGTGGACATGTGGGTGTTGCCATCTGTGGG  
GAAGCTTTTGAAAGACCAAAATCTGCAAGTTTGCCTTGGAATTATCTGTCAACAAGATGTTTGTGTTTCA  
CATCTCTGTGGACAATGGGTGGCTTACAACCGTAATGCAGGCACTCTAATCCTGTTATGTTTCAGATTATTAAAT  
AGTTAGCGTTTACTTTGTTTGGGGAGACATTGTAACTCAAACAACAAAAATTTGTTTGGGGAAAGAATT  
AGTGCTTATAACTTGTTTGTAGAAATGATTAAATGCATGACAAATTTGTCTGGGTTTT

>trans\_c\_1887 AF375452|Arabidopsis thaliana AT4g27450/F27G19\_50 mRNA, complete cds

ATCGTTTCTTTTCCAAATCCAATCAAATCTTAAATTTGTAGTAAAGTGAAGCTACAACATCTATCTGTATAGATT  
GAAGATGTTAGCCCTTTTCGATAGCCAATCCGTTCCCTCACCACGGAGCTTCAAAGTCCGGCGTCATTTCCGC  
TACCGACGGCGAAGCCCAAACCTCCTCGAGAAATTCGATCATTTCTTTCTCCGTTCTCGTGGAGCTCTG  
TCTATGTCTTTTGGAAATGCAGCGTCCATAGCGTTCGATCCATCTGCATCTCATTCCGCTCACCATCAAATGTTG  
TTTTGTGGCTTAGATGAAATGTACTGTATGTTCAAGGGGAGTTTGAACAACCTGAGTCGGTTGAACAAGCAGT

ACGGGCTTTCAAAAGCTACGAATGAAGCCATGTTCGTGATCGAAGCTTATCGAACCTAAGAGACCGTGGGC  
CATACCCAGCCGATCAAGTTCTTAAAGAACTCGAAGGAACTTCGCCTTTGTGGTTTTTGACCGCAAGGCCGG  
CTCTGTATTTGCAGCTCTGGATGCAAATGAGGGAATGGATTTGTATTGGGGGACTGCCGCCGATGGCTCTCTT  
GTAATATCGGACAAGTTGGAGGTGATTAAAGCTGGATGTGCCAAGTCATTTGCACCATTTCCACCTGGTTGTA  
TGTTCCACAGCGAGAGAGGGCTAATGAGTTTCGAACATCCGACAAAGAAGATGAAGGCAATGCCTAGAATTG  
ATAGTGAGGGAGTTATGTGTGGGGCAAACCTTAAAGTTGATGTCCAATCAAGGGTTCACACCATGCCACGTGT  
CGGAAGCGAAGCCAACTGGGCAACCTGGGGTTCACATGCCTGATTATTCATTCTACTTATTTCTGTCTTTTTCT  
TTTTCAAGTTTTCATGTTTGTATATTTTTGTTTTGCGCTTCCGGAAGCTCTATTGGACTTTCAGAGTTTTCT  
CTAAGATTCGATTAATGAAAAGCAAATGTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1888 NM\_123127|Arabidopsis thaliana ATARLA1A (ADP-ribosylation factor-like A1A); GTP binding (ATARLA1A) mRNA, complete cds

GGATCCTCACCTTTGGACAAGCGGACAGTACACGGATAGAACATTTTGGCTATCGAGGTTTACCTTGAAGAAT  
GGGTCGCTCAAGTTTCTGTCTCTTCTCTCCGTTACTCATCTTTTCGTCTATGAACATTTCTTCTTCTTAAATA  
TACTTCCAGAATTTCCATTCCTTCAGCTCCTTTTGTGATCAGTAATCAAGAGTTCTTCACACTTCCATTCA  
TTTCTGGAAATGGGTTTCTTCGATTCCATCCTTAATTGGCTCAGGAGCCTGTTCTTCAAACAGGAAATGGAGCT  
CTCACTTGTAGGACTCCAGAATGCTGGGAAAACATCTTGTCAATTCTATTGCTACGGGGGGCTACAGTGAG  
GATATGATTCCAACCTGTTGGGTTTAACATGCGAAAAGTTACAAAGGGCAATGTAACAATAAACTTTGGGACC  
TTGGAGGGCAGAGGAGATTCCGTACAATGTGGGAGAGATATTGCCGTGGTGTGACTGCAATTGTGTATATAG  
TTGATTCTGCCGATAGAGACAGTGTTCATATCAAAAAGTGAGCTCCATGAGCTCTTAACAAAACCTTCTTTA  
AGTGGAATTCCTTTGCTTGTGCTGGGCAACAAAATTGACAAATCAGAAGCACTTCCAAGCAGTCATTGGTCG  
ATTTGTTAGAACTTGAGACAATTCGTGACAGAGAGGTGTGTTGCTACATGATCTCTTGCAAAGATTCAATAAA  
CATTGATGTGGTGATCGATTGGCTTATCAAACACTCGAAAACAGCAGGATGATTGGTTTTATACCTTGATTTC  
TCTTGCTAAAGTGTGATGAAGTTCAAAGCAAGCTGTAATGTGTAGAGGGTTGAAGTTTATAAAGCTTAGCT  
ATTCTTGTTTGTGTTTAAAAATATATTGTAATCAAACATATTGTTCTTCTTTATAAAAAACAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGAGAGAGAGATAGTTTATGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1889 XM\_002866993|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein, mRNA

CATCCAATTTCAACTCCCACAAATCGAAAATGCTATCTGCCTCTTCTCCTTCTACTCTCCACCTCTTCCAGTCCG  
TCCCTCTCCCCGGGATTCTACACGTGTCAGATTCCGACCTCCACAGGCCTTCTCCTCCACCGCCACTGCTTCTC  
CACCGCCTACGCCTCCAGACAGGACACCGCCTCCCCTTATCTCAACCTTCAAATATGCCTTCTGCACTTCCCT  
TTACGAGGTCCTTGGTATCCCTACCGGAGCTTCTTTTCAGGAGATCAAGTCCGCATACCGTCGACTTGCCAGAC  
TTTGTACCCCGACGTTGCTGCCGTCGACCGGAAAGACTCATCTGCCACCGATTTCATGAAGATCCACGCTGCT  
TATTCCACTCTCTGATCCTGAGAAACGCGCTGATTACGATCGGAAGCTTCTCCGTCGGTATCGGCCTGTGGC  
TTCTGCGCGGATGGCTTCTGGTTTCACTGGATACACTCGCCGGAATTGGGAGACAGATCAGTGCTGGTGACG  
AGTTGACTCACTGAGTGATTGAAGTCGAAACTGAAACGATTTGAGTTTGTGAGAAGCTTGAAGCAAATTAATG  
ATGACCCAAAATTTGGGCGACATATCATAGAGCGCCGGAGTCAAAATCGGAATCGGAATCACTGCTTTGATTT  
GTATATATAATGAAATAATCAAAATGGCGCAAGTGATTTGAGAGAGATGAAAATCCATGGAGGGCGGAGGA  
ATCGAAGCTTTTCTGCAACTCACCGGAACTGAACTAGCGCCATTCTCTTGATTATCTCGACAAGGACAGAGAT  
TTGCTTTCAGATCTTCAGGAAGAAAATTTAGTTCTCGAAAATCAAAATACCAAGTTAAAATCAAACAGAGGA  
AAATTCATATATCTTTTCTAGTTTCTTTGGGTATCTGTTTTCTTGGCTATGTACAGTTTCGATTTCAACGAA  
ATAAAATTGAACGAAAGTCAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1890 NM\_105735|Arabidopsis thaliana caleosin-related family protein (AT1G70670)  
mRNA, complete cds

AGGGGAAGAAGAGGAAGAGAAAGAGAAAGAGAAAGAAAAAGAAAAAGAGAAAGATCCCTTTCAAACGCAC  
CGTTCTATTCCCAACTCAAAAGTTAAAGAAAAAGCCCCCTTAATAATAATAAATTCATCTTCTCGCTGTTCAATGG  
CTGATCAAGTGTCAAACAATGCGTCGTCCTCCCCGCAAGCTCCGGCGGAGAAAGCGAGGAGGAGAAGAAC  
GTTCTGCAGAAACACGTGGCGTTCTTTGATAGGAACAAAGATGGGGTGGTTTATCCATGGGAAACATTCATG  
GGGTTCCGAGCAATTGGCGCTAATTTGTTTCTCTCCACTGTTAGTGCCGTTTTTATTAACCTTGGAAGTCTAGCTCC  
AAAACCCGACCGGGGAAGTTTCCGAATTTTCTATTCCCAATTGAGATAAAGAACATTCAACTTGCCAAACATG  
GAAGTGATTCTGGTGTATATGATTCTGAAGGAAGATTGTAGTAAGAAATTTGAAGAAATATTCAAGAAGCA  
TGCCCTAACCTACCCAGATGCCTTGACAGAAAAAGAACTTAAAGCATTGCTTAAGTCAAATAGAGAGCCTAAA  
GATTACAAAGGATGGGTTGCTGCATGGACAGAATGGACAACCTCTATACAACCTTTGCAAAGATGAGAATGGT  
TTACTTAAAAAGGAAACTGTGAAGGCTGTTTATGATGGGAGCTTATTTGAACATATGGAGAAACAAAGAGCA  
TCAAAAAAGAAGAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAACGAAAATAAGGTTTTCTCATTTTTCTTTGTTTACATAT  
TTCTCATTTTAGGGTAAATTTATACTGTCATGACATGTAATCCTTTTTTTATTTTTTTTTTATCTTCTCTCTCTC  
TTTTAGGATAAGAAAATGTTAATGTTAAAGTTGTTTGATTCAATTTATATGGACTTTGTGTGGAATGGTATAAA  
GATAAATAAAATTTGTTTGCGTGTGAGATTTATTTCTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1891 HM134793|Gossypium hirsutum homeodomain-leucine zipper protein HD4 (HB4)  
mRNA, complete cds

GCATCGATAATTTTTCATCCAATGCTAAAGATTGCTCTGTCTCCTCATTCTTTGCTTTGATTATTAATCCACACAT  
CGCCCAACCAACCCATTTCCCCCTCCTCTTCTTAAACCCCTCCCTCATCTTCTCCATCCAACACCAAAACCTT  
TCATACCCCAAATTTCTTCATTCATTCAATTTCTCAGATGGGTTTTGATGATCTTTCTAATACAAGCCTTCTTCTT  
GGTTTGGGATTAACACTTCCCTCTAATCCTCCTCATCTAATTTCTCAAAGCCCAAGAAGCCACTCGATTTGCTC  
TGTTTTCCCCCTCCTGAATCCGAGCCCTCCTTAACCTTGGGGCTTTCCACCGTCGATACCTACCCTTCTGAAACC  
CCTGATTTGTCTCGCAACCCTCGCCTCACAGTGCGATTTCTTCTTCTCCGGCAGCAGGGTCAAACGCGAAAG  
AGACGTTTCCGGTGAAGAGATTGAAGAGGAGAAAGCTTCTTCTCGTGTGACGATGAAGATGAAGATGGTTC  
TAATGCTAGAAAAAACTTAGGCTAACTAAAGAACAATCTGCCCTTTTGGAGGAGAGCTTTAAACTTCACAGT  
ACTCTTAACCCTAAGCAAAAGCAAGCCTTAGCCAGAGAGTTAAATCTCCGGCCTCGACAAGTTGAAGTTTGGT  
TCCAGAATAGGAGAGCCAGGACAAAGCTTAAGCAAACAGAAGTAGATTGCGAGTTTCTAAAGAGATGCTGCG  
AAACGCTAACGGACGAAAACAGGAGGCTACAAAAGAGCTACAAGAACTGAAAGCCTTGAACTAGCACAG  
CCTCTGTTTCATGCAATGCCGGCGGCGACACTCACTATGTGCCCGTCTTGTGAGCGGATACGGCGGTGGCGCC  
GCCACGGTTAACGGCGACGGAAACTCGAAGGGCCATTCTCGATGGCTACCAAGCCCCGGTTCTACAAAGCA  
CTCACCAAGCCTTCGGCTGCTTGTAGTATTATGAGTGGATACGTATTAGAATTTGGCTAGCCC

>trans\_c\_1892 AY104258|Zea mays PCO079129 mRNA sequence

ATCGCCTGACATTTAAACAAATTAACCCGCAAAGCTCGCAAGAACTGATCGCGGGTCATACCAAGGTTTCTTC  
TTCTTTACTTCTTCCCGCCTTGCTCGGCAGGTGCAGAGTGAACACAGCCATGGTGACGTCGCCGGTGGTGAA  
CACGTATCCACTTTCAGCTATACCTTCGGTACCAAAGAGCCGAAGCTCGAGAAGGACACCTCTGTCGCTGAT  
CGTCTTGCTCGCATGAAAGTCAACTATATGAAGGAAGGCATGAGAACAAGTGTTGAAGCAATTCTGCTGGTG  
CAAGAACATAAACATCCCCACATTCTACTATTGCAAATAGGCAATACCTTTTGCAAGCTCCCTGGAGGACGGTT  
GAAGCCAGGAGAAAAATGAAATTGAAGGTTTAAAGAGGAAGCTCACAAGCAAACCTGGGTGCAAACCTCGCCCTC  
ACTCCAGCCTGATTGGCAGATTGGTGAATGTGTGGCGATTGTTGGAGACCAAACCTTTGAAACTGTCATGTAT  
CCTTATTGCCCCCTCATATTACGAAACCAAGGAATGCAAAAAGCTTTTCATTGTTCACTTGTCTGAAAGAGA  
GTACTTCGCCGTTCCCAAAAATTTGAAGCTGCTTGCAAGTCCCTTGTTTGAGCTCTATGACAATGTGCAGAGAT

ATGGACCAGTTATCTCGACGATACCGCAGCAGCTTTCAGGTTTCAGTTCAACATGATCACCACATGAGGTTAC  
AGTACAAGAGCCCCCTTAAATTTGTAGCAGGAATTGACTTCGATTTGCTTGAGATAGTTAGAAAAGAACTTAG  
AGGACATTATCAACCTTGCTTGAGATAGATTAGCATACTTGTGATAGACTTTCTTGTTCTTGACCTTTTTGTCTGA  
TGTGTTTGCAGGCAAAATTATGTTGCTTGTAAACAAGATTCAACTGAGTTTGTGTATCATTTTAGCACAATTAA  
AGTTTTAGAAGTGTAAATGTATGTCTATTGAATCAATCTTAAAGCCAAAGGCAGGATTGCTAAAAA

>trans\_c\_1893 XM\_002879344|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family  
protein, mRNA

AGAGCCTTGAACTTTTGGGGAGTGCTTTATTTGGGGTAGGAGAATATAGGGCTGCCGTAAAGGCATTGGAA  
GAAGCCATATTCATGAAACCGGATTATGCTGATGCTCACTGTGATTTGGCATCGGCTTTCATGCAATGGGGG  
AAGATGAGAGAGCAATTGAGGTGTTTCAGAAGGCAATTGACTTGAAACCTGGTCATGTAGATGCTTTGTATAA  
TTTGGGTCGACTTTACATGGATTTAGGTAGGTTCCAGAGAGCTTCAGAAATGTATACTAGGGTTTTAGCTGTG  
TGGCCTAACCAATTGGCGGGCGCAGCTCAACAAAGCTGTGTCCTTGTGGGTGCTGGTGAACTGAGGATGCT  
AAGAAGGCCTTAAAGGAAGCCTTGAAAATGACAAACAGGGTCGAATTGCATGATGCAATATCGCATTTGAAG  
CACCTGCAGAAAAAGAAGTTGAAAACCAACTGCAGTGCAAATGGAGAAGGGTCTTTTATAGTTGTGGAAGCC  
TCGAAGTTTAAGAGCATTGGAGAGAGGACTGTTTTGAGACCGGAACTGTCAAATGCTCTTGAAATCAGGGCTT  
TTCAGAAGATTACTAGATTGAATCGTTGTGACGTGGAACCTATTAAGAAGGAAATCAGTGAACATGATGTGCC  
AGTGTCTTATTCAGGCAGCGGTGTGCCTGAGAAGTCCATACGCAAGCCTAGCTTGGAAGAAATCTTCGTAGA  
TTATTGAATTTCTGAAGCCAGAAACCTTCCAAGGAGCTGTCAAGGTTATCAACGAGAGGATACTTTCTGTCTT  
GGATGAGTCAGGATCAGGAAGGGTGGACTTAGGCCTGTTTTTCGCCGTTCTTGCTCCCATTTGCACTGGCCCC  
CCTGAAAAAAGGAAGCGGGTGGCATAACGACGCCCTTGTATGGCGACCCGTGAACGATGGTGGTACACAAATC  
AGACAATTTGATGCAGTCAGGTATATAAAATTGTTGAGGGCCATATATGTTCTACTCAAGGATCCAGCGAAA  
TTCT

>trans\_c\_1894 X62494|S.tuberosum mRNA for TATA-binding protein

AACGAAAGATCTCTCCCCACGAACTTCCCTTCTCATTCTCTTCTCTCCATAATCCCTTTCTTCTCTTCAAAAACC  
AAACCTCAAACTCTCTCCATTTATATACCTCTCTCCCCCTTCATCTTTATATATAAAACACCTCGCTTTTCAA  
ACTCTTCCCGCTTCGTTCTTCACCCGTCAATCCTTCCTCATTATCCCCACTTAATTTCCCTTCCGATCCACAGGAA  
TTTCTTCCCATAAATTCTAGGGTTTCCCATTTGTAAAGAGAGATTTCTTAAAGGAATGGCAGATCAAGGCTTGG  
AAGGAGCCCAACCTGTTGATCTTAAAAGCATCCTTCTGGGATTGTACCTACTCTTCAGAACATTGTGTCCACA  
GTTAATCTGGACTGCAAGTTGGATCTGAAGGCCATTGCTCTACAAGCTCGCAATGCTGAATATAATCCCAAGC  
GTTTTGCTGCTGTTATCATGAGAATAAGGGAGCCAAAAACCACAGCATTGATATTTGCATCGGGAAAGATGGT  
CTGTACTGGAGCTAAGAGTGAACAACAATCCAAATTAGCTGCAAGAAAGTATGCCCCGATTATCCAAAAACTT  
GGTTTTCTGCTAAGTTTAAGGATTTAAGATTGAGAATATTGTTGGTTCATGTGATGTTAAGTTCCCAATAAG  
GCTCGAGGGTCTTGCTTATTCACACGGAGCCTTTTCAAGTTACGAACCAGAAGTATTTCTGGATTGATATATC  
GGATGAAACAGCCAAAGATTGTTCTTCTCATTTTCGTCTCTGGCAAATAGTTCTAACTGGGGCCAAAGGTGAG  
AGAGGAGACATATACGGCTTTTGAGAACATATACCCCGTGCTTACAGAGTTCAGGAAAAACCAGCGATGATTT  
TTGGTTTCGAGCTAGCCATATGGGAAGTTGATTTTCCTTCATGTTTAGAGAACAACTGACTGGCACACAGAC  
ACAAGCTAGCTAGCCGGAAGGATAGTGTATTTATCGAGAGATTGCTTCCAGTTGA

>trans\_c\_1895 AF528526|Glycine max 40S ribosomal S4 protein mRNA, complete cds

AAGAAACCCTATTTCTCTCCCACTAACGCCGGCGCCGACTCTGACTTTTAGCTCTTTCATCAGATATGGCAAGA  
GGGCTGAAGAAACATTTAAAGAGGCTCAATGCTCCAAAGCATTGGATGCTTGACAACTTGTTGGTGCATTTG  
CCCCAAACCTTCATCTGGACCTCACAAGTCAAGGGAATGCCTCCCCTTGATCCTTATATTGAGAAACCGACTC

AAATATGCCCTCACATACCGTGAGGTAATTGCAATTTTAATGCAACGACATGTTTTGGTCGATGGGAAGGTCC  
GGACTGATAAGACTTTTCCTGCTGGTTTCATGGACATTCTGTCAATCCCAAGACAAATGAGAATTTCCGGCTT  
CTTTATGACACAAAAGGTCGATTCCGCTCTACACTCAGTTAGGGATGAAGAGGCTAAGTATAAGCTGTGCAAA  
TTCGCTCAGTGCAGTTTGGGCAAAAGGGCATCCCTTATCTGAACACTTTTGATGGACGCACAATTCGTTATCCT  
GACCCTCTGATTAAGGCGAACGACACTATCAAGCTAGACCTTGAGTCTAACAAGATTGCTGATTTCAATTAAGTT  
TGATGTAGGAAATGTTGTGATGGTGACCGGTGGAAGAAACAGAGGCAGGGTTGGAGTGATAAAGAACAGG  
GAGAAGCATAAGGGGAAGCTTTGAAACAATCCACATTCAGGATGCAACTGGACATGAATTTGCAACTCGGCTG  
GGCAATGTGTCTACTATTGGTAAGGGGACTAAGCCATGGGTGTCCCTACCTAAGGGCAAGGGTATTAATTAT  
CCATCATCGAAGAAGCCAGAAAGAGGCTGGCAAGCCAAGCCGCAGTTACCGCTTAAGACTTGGTGTATTGTA  
ACTGTAGTCATCGATGAAAGGTCGGATTTTGCTTGAATTGTTTTGTTTTTGTCTTAAGTAGATCTAAAAAAGGC  
TGGTACTTGGTTATTTCTACTGCAATTGTGTGAAGCTACTGCTATGGTTTTGTCAATCCAAGTCTCTTTTC

>trans\_c\_1896 AF370495|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g42780) mRNA, complete cds

AGTATTTTTCCAGGCCAATTCGTTTCGTTTCAGTTCAACGATCGTCCTCCTCCTCAACGATTCTCGTCTTCCTCT  
TCTCAGACTGTGCCTGACAACCTGAGAAAGAAGAGATGTACCGAGTACGAAAAATTCCTTCGTTGGTTGATC  
TTTGTGTTAACAAGCTATAGATAATATAAGGTTTCCTGGGGATGTTGGCGAAACTGATATACATCTTTAGAG  
CGTATTTTCCACATTGCACAGTTGACCAATTAATGCATGTGGAGAAGAGTTCAGAAGGAAGAGATCTTACTC  
CAGTAACTGATAAATTGTGGAAAAAATTCTATGAAAGACAGTTTGGTAAAGAAAGTACCACTACTGTAATTGA  
GAGGATGCGGCAAAAAAGGTCGCATTTAGATGGATTCAATTATATGAGGCGAAGATGCAGGACATTGAAA  
AGAATGAGAGCAAAGCTGCAGATCGAATAAAACAAAGCTACCTAAAGGAAAATGCCCGAAAAACAAAGTCGT  
AAATACAGATTTGCAGCAAGGTTCCCCCTCGAGCAATAAGAGAAGCTTTGGAGGAAGTGGATATGGTTACA  
ATGTGGCAAACACTAAGAACAAGATACTGAAGAAGGCAAAGATAGAAGTCCTTCAGAGTCAAGAGATGAAA  
AATATAAAAGCATGGCGAAGAAATGCAGTGCAGAAGAGTTCTGATATACCTTCGACAAAGAAGCCAATGTTT  
CCTGGAAGGGAATCCGCTTCAACTTCTAAAAATACTTCCACTCATATGGCCAAAAGATGGTAGCACTTCTATTT  
ACTTTTTTCTTTTACCAAACGCAAAGTTCTGTTCTCTCACTCAGCTCCAATGTTGTATCTTCAATTTAGTTATCTC  
ATGGTTCGAAAATTGTCCTTTACCCTCTGACACTTCTGAAAAGCCATGTCCTGTGTATAATTTTATAATTCGTA  
GTTTCTTTCTTATAATGCAATGTTGTTTATTTTACACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1897 Novel Gene

ATGGAAGCTGAATTCGAGGAGTTCATTCAAGCTTCTCTTAATGAAGGGTATCACCCAGAGAAGTAGGTTGCCT  
TCTAAAAGCTGACCCAAAAAAGAACTTCCTTCGTTGATCAGCTTGCATTTTCAGGTTTTTACCATGTTGATAAGC  
ATAAGAAGCAAATCTGCAGGTTTTCTTTTTCTTTTTTTTTTTTTCTTTCTTTCTTTTAAAGTAACTTGT  
GTACAAAGCAAAGTTGCTAGTTTTGCAACTTTTGCAAACCCCACTTGTTCAATTATTGTGCATCTTACTTTATAAG  
TGTCAAAAAAAGTGTAAGAAAAAAGGAAAATAGTTTTTAATGAGAAAGAGATATTGATTCTCTAGGTTTTTC  
ATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGG  
GGGGCGGGGCCCCAGAAAAATAAAAAAACCGAAACCCGGGGGGGGGGGGGGGGGGGACCAATTCCCCCA  
AAAGGGGGGGAAAAAAGGGGGGCCAGGGGGGGGGGTTTAAAAAAGGGGGGGGGGGGGAAAAACGGGGG  
GGAACCAAAAAAACGGGGGGGGGAAAAACCCCCCTTCCCCAGGGGGGGGAAAAAAGGGCCGCA  
CGAAGGGCCCTCCAAAAAGGGGGGAACCCGGAAGGGGAAAGGGGAGGCCCGGGAGGGGGGCAAAAAA  
GGGGGGGGGGGGGGGGGGGAAACCGAAGGGGACCCCAAAATTGGGGGGGGCCAAAAGGGCGGCCCTTT  
TGGTTTTTTTCCCTTTTTTTTTTGCCAGGTGGGGGGGGTTCCCGGGAAGATAAAAAAGGGGGGGGGCCCTTT  
GGGGGTCAAAAAAGGGGGTTAACGGGCCCCCCCCCAAAAAAATTGGAAGGGGGGGGGGTTACAGGAGGG  
GGGCCACCCCCGAAAA

>trans\_c\_1898 NM\_001059159|Oryza sativa Japonica Group Os04g0386900 (Os04g0386900)  
mRNA, partial cds

TTCAAACACAAAATAAGGGACTGATTCACGTCTTTTCTCAAGAATGAATGATCTGAAGAAAATACGGCGACT  
GATTGTCTCGCCATCTGCTTCCTTCGAGCCCAAAGGCTTCTGTAAGTGATTTGTACTGAAAAACGGTCCGCAGA  
TGCAGTCAGAAAGGAATCCTCCGACAGAGCTTCCAACAATAGAGCCGCAAAATGGAGAACTATGCCCTTTC  
AGGCAAACCCTACCATGCTTTTATTCTTTCTAAATCGCATGTTGCTCCCATATATAATTTGGTTTTGCCGGCTAA  
ATTTCACTTATTTTACCTGCTATTGTCATCCCTGCGGTTCTTTTATGTCGAGGCAAGAAATGGAAGATAGATTA  
TTATGGAAACAGACGTGGTAAGGCACTCGATTCAAAACAGTGGAGGAAATTTGTAAATGATAATTGTCTCAAA  
TCCGGAGATGCTTGTGTATTTGAGCTCTTGGAGTGCAGCAGCAGCATACTTAAATTTAGAGTTCAAATTCTCCG  
TGGTGACATACCTTTGGAGCTGCACGACAAGTTCAGTGGGGAGACAAAAGAGACCCCCATACACCTTGACTA  
GCTTCCCTTTGTGTGGTTTCGTAGTTTTCAAAGTCCCGACTTGTGACATCATATTACGGTTCTAGAATCAGAC  
AGCCTATTTGATATTTGTAAGTAATATGTAATCCTGTTTTTATTATCTCATGAATGTACAACGAAAAAGTTTT  
CAAATTTTCATGGTTCTTTTTTAAAAAACAAAGTTTTCACTCTATATTTCATTTTCTTGCATCTGAACTAGGG  
GGAACCTTCAATACATGTTTTAGGAAGCAGCAGGGGAAACCATAGATCATTATCCAATCATGCTTAGTCAATA  
CTCCTTCCCCCTCCTGTACTGTGTGTTGTTGCAACTTCATTGCTTAAGCACGACTGCTTAAAGATTGGACATCA  
AGTGAAGCTAAAGTTCAATGATTGTATTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1899 AY548742|Capsicum annuum CAPIP2 (CAPIP2) mRNA, complete cds

AAACTTGATCACTCATTCATAATTTTTTAGAGAAAAAGTGAAGTGTTGGACGAGATCTACTAGAAAGTTTCTG  
TTTCCCGTGTGATTCTCATGGCGTAGTTTATAGTTAAAAGTTTTGCCTTTATTTAACAACACTTTAACAATCTCA  
GACCCACAGCTAAATAGCTATGGAACTTTGAAGAAAGCAACTATTTCTTTTGTTCCTCTTCGCCATTTTCAG  
CTTCTCAGAATCATCTAGATCCATCCTTCATCAGCCGCATCCTCAGCCTCTTGAATCCTTCAAATCAACAATAC  
CCAGAATGCAAGGAGCTGTTTCGTACACGGTAACAATAAAAAACAAGCTGTTTCATCGCCTGCTTATACTCGGGAT  
TACATCAGTATTGCATTTAGAGATGCATATGGGAATCAGGTATATGTACCGAGGATTGATGATCCATCTTCAA  
GGGCATTTGAGCGCTGCTCTACAGACAGATATGACTTAAAGGGACCATGCACGTACCAAGTATGCTATGTGTA  
CCTCTACCGGAGCGGATACGATGGATGGAAAGTGGACAAAGTAACCATCAGTAGCTACTCTTCAAGATCCGTT  
ACTTTTAACTACAACCTCGAAGATTCCAATGATGTTTGGTTTGGTTTAAATTTCTGCTCTGGGCATCAAGCTGTG  
GAATCTACTGCAGCAATGTAAAAGACTAAGTTGAAAAATCCAAGCTAAGTAACGCAATGTTATGGGTTGTGTA  
ATGGGAACAGTTGCTTAAAGTTGTCTGGGTAAATAAAGTGATGACATCTTTGTAGTAACTTAGAAATAATG  
GAAATTCCTGATAGATCTAGTGCTTTCTCCCTTTCTTTGATGGTTTTAGCTATTGATGTTATTAATGTCAAAAT  
CCTTGATATTTTACAGGGATGATTAAGTAGAGCTTTAAAAGTAAAGGATTGTACAAATGTAGGAATGAAAA  
TAGAGAACATGATGAACAATGTCTCTTGCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1900 XM\_002870151|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At4g15950, mRNA

TTTTTTTTTAAAACCCCAAAAACCTCTTTTTGCAAATTTCTTTCCAATTACAATTTATAATTAGAGAATTGAAA  
GCTTGAAACGAAGCGAAGGCTCGTCGTCATTCGGTTGCGCAAGACGAAAGGGAAGATTCTCCCATTTTCCGAT  
CAACCCAACAGGTTTTTCTTGGAGCTTAATCGAACTAAACCAGAGGAACAAATTTTCAGTAATGTCGGAGAAA  
GGCGAAAAGGGTTTTTCAGTGCAAAAAAACCTGCAAGTCTTCCCTCAAGTCTTCCGCTCTCAAGGATGCTTC  
TCTAAAAGGAAAGGATGATAGTTTGTCAAAGCTAAAGAAGGGAAGGAAAGTCCAGTTCGATGCTCAAGGATC  
AGTTGATGCGCCAAATACTTTTTCGATGAAATACAGTGGCAAAAATGGTGACATGGGTAAAGGAGGAAAAAG  
TGCAACACGAAGGCTTCTGTTGCAAGGAACCCCAATCACTAGAATTAAGATTGAGCAAGAACTGCCCAA  
GAATGTTAAATGCCAATGCCTTATGGACTGTGAAGCTGCACAACCTTTTACAGGGAATCCAAGATCAGATGGTT  
TTTCTATCCGCTGATCCAACCATAAAAATCCCACGTCATTTGATAGGGGATTGCAATATGCTAAAAGAGCCAA  
CCACTATGTAAATGCCGAGTCAGTTAGACCAGTTCTTGAAACCCTCAAGAAATATGGCATAACAGATAGTGAG

ATATGTGTGATTGCTAATGTCTGCCCAGACACTACTGATGAAGTTTTTGCTCTTCTCCATCCTTGAAGAACAAA  
AGAAGCAAGCTAAGTGAACCTCTCAACAATGTCTTGAGTGAGCTAGCCAAGGTAAAATCATCCTGAACTGAAG  
CCATCGAGTTGCTTGCTGTTGCTGTTGCTCAAGTCCGGGTGCCCCTCCCTTCTGTGAAAAATTGTTTTATG  
GCATTTGAAAAATTAGGACCTTATCTTTCAATGGCTTTCAATAGATATAACTTCGGGGGAAGTAAA

>trans\_c\_1901 AF088915|Petunia x hybrida proteasome beta subunit mRNA, complete cds

AGAGACCAAGTTTTGTGCCTTTGCTTTGTGAAGTTCCTCTTCTCTCAAGAACGCCTTCTCTTTTTCATCTGCCCTA  
TTCGACATGACGAAGCAGCAAGCTAACTGGTCTCCTTACGACAACAATGGCGGATCCTGTGTTGCGATTGCCG  
GTGCCGATTACTGTGTAATCGCCGCTGATACTCGGTTGTCTACGGGTACAACATTCTACTCGCGATTACTCC  
AAAATTTGTAAGCTGGCTGACAAAGCTGTGATGGCCTCTTCTGGTTTTCAAGCTGATGTGAAAGCCTTACAAA  
AGGTTTTGTCAGCTAGGCATTTGACCTACCAACATCAGCACAACAAGCAAATGAGCTGCCCTGCGATGGCTCA  
ACTGCTCTCAAATACATTGTACTTCAAACGGTTCTTTCCTTATTATGCTTTAATGTTTTGGGCGGGCTCGATAG  
CGAAGGAAAGGGTTGTGCTTTCACCTACGATGCTGTTGGTTCATATGAGAGAGTTGGGTACAGTGCCCGAGGG  
TTCGGGTTCCACCCTAATTACCCCTTTTTAGATAACCAACTGAAGTCTCCAAGCCCTCTATTATTGCCTGCACA  
GGATTCTTCAACGCCTCTTTCAGAAGCTGAAGCAATTGACTTGGTGAAAACCGTTTTTGCATCTGCTACCGAGA  
GGGATATCTACCCGGTGACAAACTCGAAATCGTTGTTCTTAATGCCGATGGTCTTCGTCGTGAATACATGGA  
TCTCCGAAAAGATTAGTTTGGTGATTGCTCAATTGATTGAATGTTGCAGCATCCTTTGAACTCCCCATCCGCAT  
ACCCCTCCCGGAGATTATTGCACCGTGATCGTTATATTACGGATGGTTAAGTTGAAGTTTCTCTCTGTAATAT  
GACCTCCGTTTCCAGATTAATAATTTCTGTTGTGAACATGGGATTGTATTAATCTGCACGGCCGTTGGCCAAT  
GTTGATCGACCGATCACCTTTTCTTCTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1902 NM\_122276|Arabidopsis thaliana DNA binding / DNA-directed RNA polymerase  
(AT5G23710) mRNA, complete cds

AGTTTTGATCCCCTCCAAACCTAATTCTTTGTAAGACCTCCGCCTTCTTCTTTTTCTACGATCTTCTCCCTTA  
TCCTCATTTATTCTTACCCGGCGACGGCAACGGGTCTTCCCACCAGCCGGATTCTGACGATTGAACGGAATGA  
GTAAATCACAAGGGCCATCATCCCTCAAGAGAAAAAGGCCAGATTTGGGTACGAAAAATTCCTCTGGAGGAG  
CTCTAATTGGGCAAGAAAAAGTTCTTTATGACCTAATTGTCAGCAAGCAAAGCATGGGGATTGCACTTTTGAT  
ATGAAAAGAGAGACAAAGTTTGCTGAAAGTGTAGTAACAAAATCCCTCAAGTCTCTTCAAACCAAGGGCCTGA  
TAAAGATAGTCCAACACTATCAAACAAAGGCAAGAAATCTACCTATCAAACGACTTCGAACCGGCTAAGGA  
ATTAACCGGCGGTAAGTGGTATCGTGATGGGGAGCTTGACAAAGACTACATCAATACTCTCAAACAAGTTTGT  
GCAAGAATGATACAAAGGAAGAAGTTGATGACCATTGAAGGAATTGTGGAGTCTTCAAACAGAGTGGGGCT  
TTCAAAGTAGAGTTGTCAAGAGAGCAAATTGAAGAGATTGTAAATGCTTTGGTGTGGACAATCAAGTGATG  
GAAGTGAAGAGCTCTGGATTTGGTGAATTTGAATTCATTCCAATTGGGAAGATTTGTTATAAGTATTGTACTCA  
AGGAGGAGGCCTCAAAGGGGAGCCTAAAATAGGAGCAATGGCTTCCATTCCATGTGGAGTTTGTCCAAGGAT  
CACTTATTGTACCCCAAATGGCATCATTTCTCTGCCACCTGTGTCTATTATACCAAGTGGTTAGATTTTTAAGT  
TTAAACATTTTGAAGATATATACACATAATGTGCATATGTATTTAACTTCTCCAAGTTGTTGGTGTTTTTCTT  
ATTAATCTATTAGTCCTTCAAGTTTCAATTTAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1903 XM\_002332284|Populus trichocarpa methionine sulfoxide reductase type  
(PtrcMsrA4), mRNA

AGCCTTACCCTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAACTCTTCTTCTGTTCCCTCCCATTTCTCCTTTCGCTCA  
AAACCCACTCCTAATTTCTCAAACCTTCTTCCAATCCAATTTTCAATCAAACCCATCTCTCCTTTCCTCAAAA  
CCCACCGACCCATTTCTTCAAACCCCTTCCATGAATCTTGAACAAGCTTGGTTTTGGCTCAAACCCCTCGC  
CGGAGTTGTCCGCCATTGCTCAAGGTCCCGACGATGACATTCCCGCCCCTGGCCAGCAGTTTGCCCAATTTGG



GGCTGGTTGTTTTGGGGCGTCGAATTGGGGTTTCAGAGAGTGCCCGGTGTGACCAAAACGGAGGTCGGGTG  
CACTCAAGGGCATGTTTCATAATCCTTCGTATGAAGATGTTTGTACGGGGCAGACCTATCACTCTGAGGTTGTTT  
GGGTTTCAGTATGATCCTAAAGAATGCAGTTATGAGTCTCTGCTTGATGCTTTTTGGGCTCGACATGATCCCACT  
ACTGTTAATCGCCAGGGAAATGATGTGGGAACACAATACAGATCTGGCATATACTTCTACACTCCTGAACAAG  
AGAAAGCTGCTCGAGAATCAATGGAACGCCACCAGAAGACATTGAACAGAAAGATTGTGACTGAGATTCTTC  
CTGCCAAGAAGTTCTACCGAGCGGAGGAATATCATCAACAATATCTTGAGAAAGGAGGTCGATTTCGGCTTCA  
AGCAATCTGCTGCTAAAGGCTGTAACGACCCAATTCGCTGCTATGGTTAGTTAAGTCATTAGCTGGTAATGTTG  
GTTTCAAGCTTCGACATTATAGTATTCTATATGCAATTATGACTAGATTAGACAAGCTCTATCAGACATACTTGT  
AATAAGAATTCGAATGTGTGTATCTATCTGTAATTGGTTTGGCTTTATCAATAAATGAATACATATTTGCAACTT  
ACAAGGAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1904 XM\_002882723|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cornichon family protein, mRNA

ATTTTCAACATACTCCTACTCGTCTAAAACAGCAAAATTGTGATTGAAATTTGATTCAACTTACAATTTTGGTTG  
AAAATTTATAGAACCACTGATTCTTCAATGCACCATTTAGGTTTCAGCATCTAGATTTCAATTTCCCAAGAACATT  
CAACTCTCGCTCCGTTGGATTAACAAATCAATCTTCCAATTCTGGGGTTTCTGAACTCAACTGACTTGAAGCCT  
GCTCAGTTGTTGCAGAAATGGCGTGGAATCTGATCTTTTGGTTTCATCTCTTCTGTTTAAACATCGCCCTCCTCG  
TCCTCAACTTTTATCAGCTTTTGGTATTAACGGATTTGGAGGCAGACTATTTGAACATCTATGATTATCATCTC  
GCATTAATAAACTTGTCTTCCGGAGTTTTTAGTGCAAGGAGTATTTGCTCTCTTTCTCTTACAGGCCATT  
GGTTCATGTTTCTTATAACAGTCCCTGTTACCTGCTATCACATAAATTTATTCTTGAAGAGGGAGCACCTTATTG  
ATGTCACCGAGGTGTTTAGAGCTCTTAAGCGTGAGAAGTATTTCCGTTTGGCCAAGCTTATCTTCTACTTGCTT  
CTTTTCTCATAGTAATTTTCAAGGCTTACTTTGTCTGCATTCAACTCTTATCTGACGAAGACAATGTCCTACATT  
TATTTTGATTGCCATTTTGATATCCGAAGTTTGTATTACGGGTTCTATGGTTCGTCGGATTGATATTTATGTGG  
GAATTAACGAAGGAATGAATTTGGAATCTCAGCAACTTCAAGCACATTCAATGGGTTTTCTCAATTCCTTCTT  
TAGTTTGGTAGGCTTCAGTAGCAATCTCATTGACTTACACCTAAGGAATCCTTGTATGTAGAGGATAGCATTG  
TAGGCATATTATATGATTTGATTTGTTTTGGTACCTTTCTTAACCTACTGCTAAGTCTGAGGGATCTTCAAGATT  
AGGGTTATTTTATCATTTTGGGAATATCAACTCGTTTCAAGTTTATG

>trans\_c\_1905 GQ150954|Oryza sativa Indica Group cultivar Zhenshan 97B soluble starch synthase I (SSI) gene, complete cds

AACATTTTATATTTGAAAAAGTATTTTCTATTTTAATTATGCTACAGGGAGGGTTTCAATCCTTGTAATTAATAT  
ACCCCATACCCATTTGTTTAATTCATCTTTTACAGGTCATAGATCCAACCTCTCATTTTAAATCAACAATCATGAT  
GAAACATTCACCTACATCTACCATAATTTGATTATTGTTTGTGTTTTCTTTCCCGCTACTCTATACAATAT  
AATAATATATTAACAGTTTGTAACCCAATGATGCAAACATAAAGATTTTAAATCCATGATCTATGATTGTTGTT  
TACACTCTATATATTGTTTCATATTCAAAACCTCTCTTTATAGTTATTTAAAAACGTTAATTTATGAATTTAAT  
TGAAATTTAATTACATTTATTTATTTATTAGGCAAATATCAATTTATATCCCTTAACCTATGAGATTATATCCTTTT  
TACATTAGATGCATCAATTTAAATCCTTTTATTATGTTTTGTTTGAATATACTATGAAAGTTGGAAGTTTAAATT  
GATATATTTTGTACAACCTTATGTTTGTGTTAGTGTAATTTGATATTTTTCTTTATATATTTATAGATCTTTTGT  
GTATTTAAACATGGTTATGTTTCAGTAAAAAAGGGATTGTTTTTCTTTGTCTAATTTTGTGAGATCAAAGTCA  
AAAGGAGGGTTTGGATTATTTGTTTGTCTTTGGGTTTGTGGAAGGTTGAAGATTCTTGTGCTTTGT  
GAGGTTAGAAATTCGAAAATTGAGATTAGCGAAAGTAATTAATTAATAAATAATGGTATAATTAGGGCACAACCT  
CCTCGATGTTAATGCACACAATCCCTGTCTGCTTTGTCAATTTGTACTAATAAACCTTTTATTCTTCTTACTCA  
ATTTTGAATATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCATATTTCAAGTCCACAGTTTTATTGTTTATATTTATTATCTTATT  
TAATAGGTCAAAAATAATTTGAATATCATCATATATG

>trans\_c\_1906 AM231285|Spinacia oleracea lhcb1.2 gene for major chlorophyll a/b binding protein LHCb1.2

ACTCATTTCAAAACAAAAAGTACTCCAAAGTCAAACATAACAAATACGATGGCAGCTTCATCCATGGCTCTCTCCT  
CCCCATCTCTCGCCGGCCAAGCCGTCAAGTTATCCCCACCGCCTCCGACCTCCTCGGCGAAGGCCGCATTACC  
ATGAGAAAAACCGCCGAAAGGCCAAGCCCGTTTCTCCGGTAGCCCATGGTACGGCCCCGATCGTGTTAAAT  
ACCTAGGCCCATTTCTCTGGCGAACCCCATCCTATCTAACC GGAGAATTCCCCGGTGACTACGGTTGGGACACT  
GCCGGCCTCTCCGCCGACCCAGAAACCTTCGCCAAAAACCGTGAACCTCGAAGTAATCCACTCGAGATGGGCCA  
TGCTCGGAGCCTTAGGCTGCGTATCCCCGGAGCTCCTCTCTCGCAACGGAGTCAAATTGGGCGAGGCTGTGTG  
GTTCAAAGCTGGATCACAAATCTTCAGCGAAGGTGGGCTCGACTATTTGGGGAACCCAAGCTTGGTGCACGC  
GCAGAGTATTCTCGCCATTTGGGCTTGTCAGTAGTGCTCATGGGAGCAGTGGAAGGATACAGAATTGCTGG  
GGGTCCGTTGGGTGAAATCACGGACCCGATTTACCCAGGTGGGAGCTTTGATCCATTGGGGCTGGCCGATGA  
TCCAGAGGCATTTGCGGAATTGAAAGTGAAGGAGCTTAAGAATGGTAGATTGGCTATGTTTTCGATGTTCCG  
ATTTTTCGTACAAGCGGTTGTAAGTGGGAAAGGGCCATTGGAGAACTTGGCTGATCATTTGGCTGACCCTGTT  
AACAACAATGCTTGGGCCTATGCTACTAAGTTTGTACCTGGAAAGTGAGGTGTAAACAGTTGTTAGAGTGTGCG  
TCTTCTCTTGTTGGCCAGGGATTCTTGTTTTATTGTATGTGTTATTATTATAATTTTATGTTTGTTAATGGAATTG  
TGAACCTTGAATTGGGTGTGTGTTGTGATTCTGAATGTAAAGTAGACTTAGAGCCCCACCCTCGCCA

>trans\_c\_1907 GQ377436|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription factor 16 mRNA, complete cds

AAAAGAAAAGATATTGTATATAAAAACTCATCCACTCCTTACAACCAGCTGCTTGTTCCTTTTCACACCAAGTC  
TATTATTCCCCCAATGGCCAGCTTCCCTTATGAAGATTCAAACCCTAACCCCTAATAATCTTAACCCTAACCCCTAA  
TCATTATTATACTCCTTTTCCTCCGATTCTCGATCCCGCTTCTTTCTTCGATTTTGAGCTCTCCGATTTCTTTTGT  
TTGACGATAACAACAACAATAATAATAATATCGTCGACCAAGCTGCATCGTCCTCGCCAAGTATGACTTCG  
TCGGAGAAGATCACTGGTGGAGGAGGAGTCGATAGTAGTGGCAGCTCTACTGTAATCGATACCGGATCTAGC  
ATAGTAGTTTCATCGGGAGCGTCAACGACATCTATAAGAAGCAAAAATGGGGAGAAGAAAAGGAAAGGGGA  
AATGGGATGTAGAGTTGCATTAGAACCAAATCAGAGCAAGAAATTATAGATGATGGCTACAAGTGGAGGAA  
GTATGGGAAAAAATCTGTGAAGAATAGTCCTAATCCCAGAAATTACTATAAATGTTCAAGTGAAGGATGCAAT  
GTGAAGAAGAAGGTGGAAAGAGACAGAGAGGATGCAAACTATGTGATTACTACTTATGAGGGAATTACAA  
CCATGAAAGCCCCTTTGTTGTGTATTACAATCAATTGCCATCCTTTACAACCTCTACCCCCACCTAGCAAACCCT  
ATTTTCTGAAACTTACAGTCGTTGGATTAGGTTTAGATTGACTTTCTAAGTATTTAAAAATATCATTTTTTTAATC  
ATTTAGTGGGTTGATCCGAGCATACCCTAAAGTATAATACGTCCATTTTTATTTCCATGTATAGGATCAATTTTG  
TATTTTGTATAAAATCTACATAGATAAAATATATAGATGCGGAAGCTTTTTGAAATAATTAGCAACATTATTTTAT  
ATAAATATAATAAAATCAATTGATCGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans c 1908 BT011863|Arabidopsis thaliana At1g13360 mRNA sequence

ATTTATTTATTACTATTTTTTGATTTATTGAAACCTTTTATTAATTTTATTTAAAAATAAAAAATCACTACGCGC  
CCAAGTGC GTTGAACCATACGAATTCATTTAAAGCTCAGATGTTGCGTCTCCACTCCCCGTCACCAATT  
CGCAATCGGATGCTCTGTCTTTCCTCCAAAACCTCCCGTCGCCCCCTCTTGTTTCTTCTTCTCTAATGGAAC  
CCTGCGTTGACACCAGGAAGCGACTACGGGACGATTCCAACGACGACTCCCTTTCAATTCATCGGATCCAG  
CTCCAAGTTCCTCCGACTTGAAAATCCCGCCGACTCCAACCTCGATGCGCCGGTTTACAATCGACCGATTCTG  
TTCAGTCGCATCACACAATTCAGGAAGACCTGCTGAAGATTCTAGACGATACCGACGCTTCCATAGATAGGGA  
GGCGGCGATTCAAGATCTCGATTGGTGATTAGAAGCTTCGAGAAGGAAATCGAAGTGCCAGTGCCTGTTGT  
TCAGCCTGAACTTGGATTTCTTCTAGAAGCGTCGGATGATGAATTAGGGCTCCGCTGCTGGTGAGAAAGAG  
GAAATTGAAGAAGCGGAGTTTTCGGGTAGCGGTGGTGTGAAAGGGGTTTTAGGGTTTGAGGATGAAATTGT

TTCAATTACTGTTGGTTTGATAATTTGAGGTGTGAGATTAAGGAATGGATTCCGGAAGAGGAAGAGGAGGT  
GGTGGCGTTGGGTGGATTGTTTCGATCATAACGGATGTGGCGGCGGAATTGCCGACGGCGTATCGATCGGAGA  
GGATGCCTTGTTTATAATAAGTTAACTGAACACACTTTGTGTTTGTATTGTATTATTCGTAAGATGAA  
GAACTAAAACTGGGGGAAAAAAGAAAAGAAAATTGAATGTGTGGAATTTGTTTAAGAAATAACAAGGG  
GTAACCAAAAAAGAAAAGGCATAAAATTAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1909 EU755023|*Arachis hypogaea* cultivar Yueyou 7 NAC-like transcription factor (NAC2)  
mRNA, complete cds

AAAAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGGGAAAGAAAAAAGAAAAATCTCAAATTCGTCTCTCCTTT  
CTCCTCCTTACAATCTCCTCTATACAATGGACCCACTGACGCAGCTTAGCTTACCGCCGGGATTGAGATTTTTTC  
CGACCGATGAAGAGCTTTTAGTTCAATATCTTTGCCGGAAGTGGCCGGCCACCATTTTAGCTTGCAACTCATC  
GCTGAGATTGACTTGTACAAATTCGATCCATGGGTTTTACCTGGAAAGGCTTTATTCGGGGAAAAGGAATGGT  
ACTTTTTAGCCCAAGAGACCGGAAATATCCAAACGGGTCTAGACCAAACCGGGTAGCCGGTTCGGGTTACTG  
GAAGGCGACCGGTACGGATAAAATAATCTCGTCGGAAGGGAAGAACGTCGGAATTAAGGCTCTGGTTTT  
CTACGTCGGAAAAGCTCCTAAGGGAACAAAAACGAATTGGATTATGCATGAGTATCGCCTTATTACTTCTCC  
AGAAAAACAGGAAGCTCCAAGCTGGACGATTGGGTTTTATGTCGGATTTATAAGAAGAATTCGAGTTGTCAA  
AAGCCGACGGGGAGTATTTCAAGTAAGGAATACAGTAACGCCTCACCTCGTCGTCATCGACGAAGTCATC  
GAATCCCTACCAGAAACGGGCGACGATTTCTTTGCATACCCAAAAACAACATTACAACATAACGACATTATGA  
ATAAATTCACTTTGAAATTCGGGCGGACTCTGTACATTCCGATTGGGCGAGTTTGGCCGGGCTTTACTCAGTG  
CCGGAACGCTCCGTCGACCATTCGGGGGACATTGATTTCAAAAAACAATAACACGATCGCTGATCTG  
TATGTTCTTCAGTTACATCGTCGTTTTGCCAGGTGGATTATCCGCCGGCGTCGGCGTTCCGTTACTCGACGCA  
ACAAAGGGACGGCGGCGGAGTGTTGGATTGAGCCCATGAGATGAATACATATGGCATTGATTGATTACA

>trans\_c\_1910 NM\_115621|*Arabidopsis thaliana* ADSS (ADENYLOSUCCINATE SYNTHASE);  
adenylosuccinate synthase (ADSS) mRNA, complete cds

CGCCGCCAACTTATCGCCATCGGCGGCGTGCCGGAGACCCTTTATGGGCGTCATCCGACCCTCTTCGTTTGCT  
CATCTGCTAAGACCGTTGCGGCTGTTGGCTCTTCTGTGAGTGTCCAGAGTCGGGGAGGAAGGATGGTCTGA  
AACGAATTGGGGAACCTCAGTCAAGTTTCGGGCGTGTTGGGCTGCCAGTGGGGTGATGAAGGTAAGGGTAAA  
CTCGTTGACATCTTGGCCAGCACTTCGAAATCGTCGCTCGCTGTGAGGGTGGGGCTAACGCCGGGCACACGA  
TATATAATGCAGAAAGGAAGAAGTTTGCATTCATCTCCTCTGGAATCCTTAATGAGGATACTTTATGT  
GTTATTGGAAATGGAGTTGTGGTGCACGTGCCTGGTTTCTTTGAGGAGATTGACCGTCTAGAAGCAAGTGGA  
GTCTCGTGAAGGGAAGGATCTTGGTGTCTGACCGAGCTCATCTGTTATTTGATTCCATCAGGAGGTGGATG  
GGCTAAGAGAAGCTGAGTTAGCTAAATCTTTCATTGGAACAACCAGGAGAGGGATTGGACCTTGTTACTCCA  
GTAAAGTTATTAGAAATGGTATTAGAGTGGGTGATTTGAGGCACTTGGACACTCTTCTCAGAAGCTGGACCT  
TTTACTCTCAGATGCTGCTGCGAGATTTAAGGATTTAACTATACCCAGAAAGTTCTGGAGGAAGAAGTTGAA  
AAGTACAAAAGATATGCTGAGAGATTGGAACCATTTATCACTGACACTGTGTATTTCAATGAAGCCATCTC  
TGCAATAAGAAGATTTTGGTTGAAGGTGGTCAAGCAACTATGCTTGACATTGACTTTGGAACATATCCTTTTG  
TAACTTCTCCAGCCCTTCGGCAGGTGGAATTTGCACTGGTCTTGGAAATTGCTCCGAAAGTTGTGGGTGATCTT  
ATAGGAGTGGTGAGTTTTTTTTATTCTTTTTTTTTTTAATTTCAATTTTTATGACTTTATTTAACTG

>trans\_c\_1911 DQ086863|*Arabidopsis thaliana* At2g28840 mRNA, complete cds

AGCCCTGCCCCGAGTCACCATTTCAACTCCCCCTTACTTGACGGTCACCTTCTCTCTCTCTCTCTTTTCCAATTT  
CTGCCTTCTCCGACTCTATTACCGATAGTATTTAGTAATGGTCCTAATGGACCTCTTCTCGTATTCCATGCCACT  
CCCCCTCATTTTTGATCAAAGGGTGCTTCCCTTAATGGAGGTGCGAGGCTGCGGCCAAGCCCTCTCTTGAGTTG

AGTTTCTTTCTTCTGCTCTGTTTTAGCGTTTTAAGCAGAGGAAGAAAGATGGGTGAGGGGCTGAGTTGCAG  
TTCGAGTCATGAGAATGGATTGTTTAATGCTGTACAGTGTGGGGATTGTCAGATGGTTCAACTTTTGTGAAT  
AACCAACCGTCTTTGTTGCATAATACCACTCTCTATGATCGTCAATCTCCCTTCATTTTGCTGCTGCTAATGGG  
CAGATCGAGATCCTCTCTCTACTTTTTGGAACGATCTGTTAATCCGGATTGTTGAATCGTCACAAACAGACTCC  
ACTTATGTTGGCAGCAATGCATGGGAAGATCTCTGTCTGAAGAACTCCTGAAGTTGGAGCAAATATTTTA  
AAGTTTGATTCTCTTCACGGGAGAACTTGCTTGCAATTATGCTGCTTATTATGGCCATTTTGATTGTTTAGAAGCC  
ATCCTTTCTGCAGCTCAATCAAGCCCCGTTGCTGTTTCTGGGGATTGTACGATTGTGAATATTAGAGATGG  
TAAAGGAGCAACCCCTTTACATTTAGCAGCTCGTCAAAGACGACCTGAATGTATTCATATTCTGTTGGATAATG  
GAGCTCTTGGTAGTGCTTCAACTGGTGGATATGGATGCCAAGGAAGTACACCTCTTCATTTGGCAGCTCGTGG  
GGGGTTCCCTGGATTGCATCAGGAAATTGTTAGCTTGGGGGGCGGATCGTCTTCACAGAGATTCGACCGGGA  
CAATTCCCTATGTAATTGCTATGAGGCGCACACGCGGAACCTTGTCAGCCTTGCT

>trans\_c\_1912 NM\_001054829|Oryza sativa Japonica Group Os02g0778300 (Os02g0778300)  
mRNA, complete cds

ATCCCCCTCCGACAAAAAGACTCCTATGCTGCAATTACTCTCTCTCCGGAGAATCACCGATCATAGGAATCGGA  
GAGCCCAAATTGACGGTTTCGGAAGGCTTCAACCTCACACTTCACCATCTAATTCGTCCTTCATCTCCGTTTAA  
GCGTCTTCATTTCAAACATGGCAGCGGAGAGGCACGCCTCTTCGCGCGCAACATCATCTGAAGACAACGCGAT  
GTTTCTTGACATACTGCATGAGGCACCGTTATTTGGTCATCGGAAGCCTGCAAGAACTGTTGGAGGCATAATT  
TATTGTTTTGTTTTGGTAGGCTATGCTGCTCTGGCTATTGGAGCGCCATGGATTTTTCATCCTATAAAGCACTTG  
GTTGAACCATTGCTCTTGCAAGTGTGTCGTTCTCTTGATGCTCACAGGTATCTTTCAGCAATATCTAGTATA  
CCAAGTCCACAAAATTCGTTTGCAGGGTTATTATAGCTTTAGCCAGAAGTTAAAGCATATTGTTGCTCTACCTTT  
TGCAGTTACTGCATATGGAAGTGTGCCCTTTTACTTGTGTCATGGTATGGGAACCTCAAATCAGTGCACCTTCGA  
TCCCCATAATTTAAGGTTGATTATGTTAATTGAAGCGGTGTGTGCTGGATCATTTATGATTATATATATCAGCT  
ATGTACAAAAGTACAATTCATAAATCTCAGCCTGATGTTTTGAAGTCATTGTATTCTCCACTTCAGCAATCAA  
GTTCTTTGGAAGATCTAAGGTATCATGATGTTGGTCGACTTTCTGATCAGCAAATGGCTCTGTTGCAATATCAG  
CGAGAGAACCTTCATTTTCTGAATGAGGAGATTCTTCGGTTGCAAGAGTGCTTAAGTAAATATGAACGGTCCA  
GTGATGGAAGCACGCCTCAGGTTGATCTTGCCCATATGCTAGCTGCTCGTGATCAGGAATTGAGGACACTTTC  
GGCTGAGATGAATCANGTGACATCAGAACTTAGGCTTGCTCGATCCGTTATAGC

>trans\_c\_1913 EU189220|Gossypium hirsutum 14-3-3a protein mRNA, complete cds

AGCACCTTGTTTACTTAGCCAGACTTGCAGAACAGGCTGAGAGATATGATGAAATGGTGGAAATGATGAAGA  
ACGTCGCAAAAGTTGGACGTGGAACCTTACTGTGGAGGAGAGGAACCTGGTGTCTGTGGGGTATAAGAACGTTA  
TCGGGGCAAGAAGAGCCTCATGGCGTATTTTATCTTCTATTGAACAAAAGGAGGAAGGAAAGAAGAACGAG  
GTTAACGTGAACAGAGTAAAGAGTACAGGCAAAGGGTTGAAGATGAACTGGCGAGAATTTGCCAAGATAT  
CTTAAGTGTGTCGACAAGCATCCTATTCCATCTTCATCCTCTGGAGAATCCAATGTTTTTTACTATAAGATGAA  
GGGGGATTATAACCGATACTTAGCGGAGTTTAAATCTGGCCCTGAACGTGAAGAAGCTGCAGACCAGTCGAT  
GAAAGCCTATGAGTCTGCTTCAAGCATTGCAAGTTCTGATCTGCCTCCAACACATCCCATCAGACTTGGCTTGG  
CGCTTAACCTTTTCTGTTTTTTACTATGAGATATTGAATCCCCAGAGAGGGCATGCCACCTTGCTAAACAAGCTT  
TTGATGAAGCCATAGCTGAACCTTGATGGCCTCAATGAAGATTCTTACAAGGACAGTACCCTCATTATGCAGCT  
GCTGAGGGATAATCTCACATTATGGACCTCAGATCTCCAGATGAGGGAGGTGAGCAATCTAAAGCTGCTGA  
TGAACCTTGAGCAGAGGCAACTAGCAAGATATTGAATGTCTCGGTGAGCCGATGGACATTTTCTTAAGTAA  
TTCCTTGAACAATTATTTACTAGCCATATATATATATTGCACAGCTAATTACTGCTGACATGGTTCTAGGAGG  
CAGAACTTATAGCTGTGTCACTTGCTTGTCTATCAGTAGTGTATCAGAACAGTAGTCTGTTATCACCTTGTAAAC  
CATTACCTTTAAAAATTAAGTGAATCCGTTTAGTTTGAGAGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1914 D83070|Canavalia gladiata mRNA for high mobility group protein, complete cds

TGCTCAAATCAAACAGTTAACAGAGCATTTTTTTTTTGAACAGCAGTAGTAGGTTCTCTTTCTATCTCTAGCTG  
CTTTCTGGGTTACTCTTCCCCTTCTCTGTAGGCTTCAGGATAATAAAAAACCTTTCTTTTTCAATTTTCAATGGC  
GACTCAAGAGGTTAATAAACCTCCATCACTCCCTCCTTACCCTGAGATGATATTTAGGGCTATTGAAGCGTTGA  
ATAGTGACAATGGCTCGAACAAGTCCACAATATCAAAGTACATTGAATCGACATATGGGAACTTGCCAACTGG  
GCACTCATCTTTGCTCACACACCATTGGAACATGATGAAAGCGAGTGGGGACCTTGTGTTCTGGAAGAACAAC  
TACATGAAGAGGGATCCTACGGCACCTCCCCGACGAGGTCGTGGCAGGCCTCCCAAATCGAAGAGCCCTCTTC  
CACTCAGTTCTGCAATATCCCCACCAAAGCCGAGAGGCCGCCCGCCTAAGGACCCCAATGCACCTCCAAAACC  
ACCAAAGCCAGTGCAGATGAAGGTATCTTCTGGGACTGGAAAACCAAGAGGACGACCAAGGAAATTCCTCA  
GTCAGCAACCACGCCAGCTCCTCCGGCACCAAGTGGGAGGCCAGAGGTCGACCTCCTAAGGTGAAGGCTAC  
ATTGACGGAAGTTAGTGTTCAACAATAGATTGTTGCAGTGCAGTTAATTGGTAGTGCTTGACTCTCCCTCTCT  
CTCACTCTCTTATTTGTCTCTCTGTTGCTGTGTGGGCAGTTTGTAGTTGTAGTGCTTAGTTTTAGTTTGATGTGG  
ATGTGGGTGTAATTCATGTAAAATGTGGTGTAGTGGTTTGTGAGGCTCTGTTGCTTTTCTATTTACAAAGTGAA  
CATTTGACTGTGCTAATCATAATTTCTTCAGTGTTTCGATCCTTCAAACATTTTTTCATGCTTCAAACATGACACA  
TCACATTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1915 AY450641|Solanum tuberosum cathepsin B-like cysteine proteinase mRNA,  
complete cds

AAGATAATTGTGAAGCCCGAGAAAGTGAATTTCTGTTGTTCCGGATGGCAGCAGCATGGCGTGCGAACATG  
GATGACGTTAATTCGGACGTTGAATCAAAGGGAACGTCTGGATTGGTCCTTTCTCCCAAATCTTAACACTCCAT  
TTTTTATACGGAACCTCATCTCTTCCCATTTTCCCCACCCACTCTCTCTTCTCTCCATTTTCATCGCCTTTGTTTCT  
GTTTCTCTTTCTGATTCGCCCTTCCAAAATAGCAAGGAAATGGCATCATCTCAGTTATATTTGTCCCTTTCCTTG  
CTATTTTGGCTGCCGTCTGTTCCCTCCATCATCAGGTCCATGCAGAGGAACAAGTTCTAAAGTTCAAACCTCGA  
TGCTGATATTCTTCAGGAGTCTATCGTTCGGCATGTAAACGAACACCCACAGGCTGGCTGGAAAGCTACCATG  
AACCTCGTTTTTTCGAATATTCTGTTAGCCAATTCAAGTACCTGCTTGCGTCAAACAACTCCTGAAAAGGA  
TTTGAAAAGTACCCCTGTTTTATCCCATCCCAAGTCTTTACGGTTGCCAAAAAGCTTTGATGCAAGAGAAGCTT  
GGCCTCAGTGTATCAGCATTGGAACCATTCTAGATCAGGGGCACTGTGGTTCTTGCTGGGCATTTGGTGCTGT  
TGAGTCACTTTCAGATCGATTCTGCATTCATTTTGACATGAACATTACTTTGTCTGTTAATGACCTTTTGGCATG  
CTGTGGCTTCATGTGTGGTGATGGCTGTGATGGGGGTTACCAATTTCTGCATGGCGATACTTTGTTTCGTCATG  
GAGTTGTTACTGAACAGTGTGATCCATATTTGACACTACTGGTTGTTCTCACCTGGCTGTGAACCTGCATAT  
CCTACTCTAGATGTGTCAGGCATTGTGTAGATAAGAACCAGATTTGGAGAAAAACAAAGCACTATGGTGTTA  
ATGCTTATAGGATTAAAAAGAGCTTTGCGTCGCGAATGGCCTAAGCCGCTTTTC

>trans\_c\_1916 AY091702|Arabidopsis thaliana At2g24020/T29E15.22 mRNA, complete cds

ACATTCACAGCGGCTTTGAGCAATGGCGTCGACAATATCTCTGAGTGCTCAGCTGCCAAATCTCCGAGGAATT  
TCTGATTTGAAGAAACGAAGCAACTTAAATTTGATGTCAAATATAGTTGGTACACGACTCTCACCTTATGGTCC  
TTGGAAAGTTGAAAAAATAATAGATCTCTTTGCGTTTATGGTCTATTTGGAGGAAAAAAGGATGAGGAGAA  
GAGTGATGATGCACCTTCAAAGGCAGGAATCTTTGAAACATGCAGAAGTTATATGAACTGTGAGGACAGC  
GCAAAAGGTTGTCCAAGTAGAGGCAGTACGTGTACAAAAAGAACTTGACGCGGCAGAGTTTGATGGCTACTG  
TGAAGGAGAGCTAATAAAGGTGACATTATCCGGGAATCAGCAACCTATTGCGACAGAGATAACGGAGGCTGC  
AATGGAATTAGGACCAGAAAAACTTTCCCTTCTTGTTACTGAAGCTTATCAGGACGCACATCAGAAGAGCGTT  
CAGGCCATGAAACAAAGAATGAGTGATCTTGCCAGAGCTTAGGCATGCCCCAGGGACTCAGTGAGGGATTA  
AAGTAGACATTTTATGTCCGTGCGACATCAGTTTTGTGAACACAGCGGCAGCGGGACAACCTTAATTGTAATCT  
GACCTCGGCAGCAAATTCATATTAGTTTTTACTGGTGAACCTAAATGTTTGGGAACGAACCTTGTCTCCATCT

CTAAATGTAAAAAAGACAAGCTATGATGTTTATTGTGGTATCAGAACAAAGAATCTAAAGAATGAGATGAGA  
ACGAGATTGTGCAATTGTGCTTGTATCGACGCTGGCATTGAATTCTTGAAAAGGAGCTTAAACTTCTACTTT  
GTGTAATCACGGGCAAATGTTAGTAAAATAATCTTTGTTCAATCTTTCCATTGGATCTTGAAATGGGTAATAA  
TATTGACTTGGTGTATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1917 XM\_002893551|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SGS domain-containing protein,  
mRNA

AACCTTCTAAGCAAATCCAAAACCTTGGCTTCAACAAAACCCTCGTACCTTCTACAAATTTCCGATTCCAATTAC  
CACACACCACGCAATCCCCTGTCCGCACAATTAACCCTTCATCTTCTCCTTTCATTTCACCTCCAAACACATTA  
CTCTACTCTTCATTATGGCGGAAGACCTTTCTCTTGATTGGAAAAGCTTCGTACCTCCACACCATCGCCAAGC  
GGCCTCGCATCGTCTCTCTCATTTCTCTCAGATTGCGACCTTAGAGCAGTTATCGAAAGAGTCTGTCCACAA  
ACTCCCCTCCACTCCTATTCTGTTTCTACTTCAGGTGCCAAGAGTGCCCATCAATTCACCTATTGTTTATACT  
CCACTACCTGAATTCATTGGGATCAAGACAATGACAAAATGAAGATATATATATCGTTGGAAGGAATTGAGC  
AAGAAAAAGTTGAAGCTGACTACAAACAGTCATCGATTGATATCAAGTTTCATGATGTCAAACGGAAGAATTA  
CCGGTTTGCTATTCTAAGTTGAACAAAGACATTGTTCTGAGAAGTGTAAGTTGCTTGTGAAACCAACACGG  
ACTGTTATCACGCTGTACAAAGCTTCAAAGGGGAAGTGGTTAGATTGAATTTGAAGGAGGACAAGCTCAAG  
CCGGGTCTTGATAAGGAACGCGACCCAATGGCAGGAATCATGGATTTAATGAAGAATATGTACGATGAAGGA  
GATGATGAAATGAAAAGAACGATAGCGAAGGCGTGGACTGACGCCAGAACCAGGCAAGACAGCTGATCCACT  
TAAAGGGTTCCTTGAGAAAACGCCAGGGCAAATATAGTTACATCTTTAGGGATGATTATTCTGGTGGGTGG  
ATGAGATCAGTGGACTGCAAGTTGGCCTTGCTATTTATGGTTTTGAATCTTTTGATTGTTAAGTTCTGAAAG  
TGAGTGCTGTATAAACTTGCTCTAGTTCTTTGATCTATAAAAGGTTTCATATTTGTTTT

>trans\_c\_1918 NM\_111046|Arabidopsis thaliana ribosome recycling factor family protein /  
ribosome releasing factor family protein (AT3G01800) mRNA, complete cds

GTTGGGTTTTATGAAAAACCCTAACAAGAAAACATCGAATCGAAGAAATAAGTTTGGTGGTTCATCAGTTGG  
AGCATGAACCTCTAGTTCAATGGCTATGTTTCTAAAACGTTCTTCTCCTACAGAAATTCATCATTCTCCGAAA  
TTTTGCTAATCAAACCTTGTAACCTTTCTCTCTCAACCATTCTCCAACCTCATGGACCTCCGACACCTCTGCC  
GGATTGCACTTCCTCCTTCAGATTTATCCGAGAGAGTCGTCGGGGTTTTGCTAAAGGCCGAAAATCAAATG  
AATCTTCTACAAGTATTGCTGAGGCATTGACTGATATTAGACCCACGATTAAATCAAACGCTAGCTCGCAAATG  
GAGGCTTCGATAGTTGCATTATCAGGAGAATTAAGCAAGCTTCGAACGGGCAGGGCATCATCTGGAATGCTT  
GACCACATTATAGTAGAACTTCAGGTGTGAAGCTGCCGTTGAATCAGATTGCGGCTGTATCGGTCTTGGATT  
CAAAAACATTGTCAATAAATCCTTATGATCCCAGTACACTAAAGAATTTAGAGAGTGCTATAATCTCATCTCCTT  
TAGGTGTTGCACCAAGAGTAGACGGAGAGAGGTTAATTGCAGTAATTCACCATTGACCAAAGAACATATCC  
AGGCTATGTGTAAGCTGGTCACCAAGTGTTGCGAAGATTCCAGACAAAGTATACGACGAGCTCGTCAAAGG  
CCATGGATACAGTTAAAAAGATTAGCTCAAGCTACCCGAAGGATGACATGAAAAGACTGGAAAAGGAAGTTG  
ATGAATTGACTAAGAAGTTTATCAAGTCAGCCGAAGAACTCTGCAAGGCAAAGGAGAAGGAGATCACTGGAG  
GTTAAAAAAAATTATAGTTCCCAATTTTGACAGATGAGTCATTCTAATAACTTGGTTGGATATTTTGTCTAAAC  
TTTTAGCGTCCCATTATAGAGCTTTTTATAATCATAAGCGAGGGATGTAACAGTGGATGTTGAA

>trans\_c\_1919 BT024731|Arabidopsis thaliana At3g18990 mRNA, complete cds

AAGAATCAGTGGAAGACGGGCAAGTAGATCTGAAAGTTCATACAAACAGAGCCTCATACGCCGGAGATTGAG  
GGAGAAAAATCCGGGGACGGTCGGCCGATTGTTTGTGGATTTGAACAAAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAACA  
GAACCGGAGATTTTTTTGAATCGTTATGCTGAATGACTGATTTTTCAGCTTTCCGAACGGGCGGTTTCAAAGG  
AAAATGCCGCGCCCTCATTTTACAAGCTTGTTCTTCTCAACTATCCAAGCTAGGAAATTGAGACTCCCAGA

AACTTTTGTGAGGTTGATCAGGGATGAGCTTTCAGCAGTTGCAACCCTTACTGTTCTGATGGCCATGTTTGGC  
GTGTAGGTTTGAGGAAAGCCGACAATAAATTTTGTTTGAAGATGGATGGCAAGGATTTCTTGAGCATTACTC  
CATACGGGTTGGGTATTTACTAGTATTCAGATACGAGGGAACTCAGCGTTCTGTGTTTTATCTTTAATCTTA  
ATACATCTAAAATAAACTATCAATCGGCTGCTCTCAGTAGTAATCAAAGGAATAATTACAGCATTCAAAATCGA  
ATCTTTGAAGAAATGGAGGATTATGATATTCCCGAAGCCATTCTTCCAATCAGTCCATGAATTCCGGTTCCTT  
GCGGAATAAGCTATTTGGTGACGAATGGAATCTGCACCAATCAAAATCTGCAAGTACGTTGCAAGCTGAGTAT  
TTATCCACTAGAGATATTGGGGTTCAGTTTAGTGCTGTGGAGATTAAAAAATCTGCAGATGAGGTGAGATTCC  
AGAATTTGGGTGATGATGCAGCACACAGGGGTAAAAAGAGTGGAAGCAAAAAGCGGAAAATCGAGTCTAGC  
GAGCACCATCCATCTGCTCATAATAGTGAAGATTTAGGAGACATTCGTTTTAGATTTTATGAAAGTGCTTCTGC  
TAGAAAGAGAATTGTGACAGCAGAAAAAAGAAAAAGAGTTATCAACTCTGCAAAGCTTTCGAGCCC

>trans\_c\_1920 XM\_002876331|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thylakoid lumenal 20 kDa protein,  
mRNA

GACGTGGACGATACACTCAACTCTCATCATCGCCATTACCATTCTCCCAGTTTTCAATTTTTCTTCCTTCTCAA  
CTCTCTCAAAATGGCCTCAGTCTCTGCTTTTACAATTTCCCATCTTTCCCATCTCTACCTCCCACAAACCTAAG  
AAGAAACCTATTTCTCGTCCATCTTCTCTCAAAAGGGTCTCAATTCGTGCCCCGACGGGAGATTTGAAAGG  
ATTCATCTCCTTCTCTTTCTTTCCCTCTTTTCCAATCCTTAAATCCACTTCCTTCTCTATCCAAAGAGATCGAAG  
TTGGCTCTTATCTCCCTCCCTCACCTCTGACCCTTCTTTTGTCTTCTTCAAAGCTTCCCCAAGTGACACCCCGGC  
TCTTCGTGCAGTTCTTTGCAGGAAATGTGAACCATAACAGTTCATTCTGCCCCCAACTTGGAACAAACGCGC  
GTAGCTAATATTTTATCTGGTAATTACTGTCAACCCAAGTGTGCGGAGCCTTGGGTGGAGGTAAATTTGAAG  
ATGACAAACAAGGGAAAATCCAGGTAGTGGCTTCTCCTTTAATACGTCTGACTAATAAGCCTAATGCTACAATT  
GAAGACATAGGTAGCCCTGAGAAGGTAATCGCTTCTCTTGGCCCTTTTGTACTGGAAGTACATACGATCCTG  
ACGAACTTCTTGAATCATCGGTGGAGAACTTGGTGATCAAACGTATTACAAATACACATTGGAAACTCCTTAT  
GCTTTGACGGGTACACACAATCTGGCTAAGGCAACGGCAAAAGGAAGCACCGTTGTGTTATTTGTGGCCAGT  
GCTAATGATAACAATGGCAGGCTTCTGAGAAAGTTTTGAGAACCATGCTTGATTCTTTTCAGCTCTAATTCCT  
TTCAACTACATTCAAAATCAGGTAATATGTGGATGGAAATGTGAACCATGATCTTTTTGGTGGAGGCCAA  
GTTTCTCAAGATGGGCCTTCTCACCTTGATTTTATTTTTTTTACGTTAGT

>trans\_c\_1921 EU034700|Rauvolfia verticillata plastid 2C-methyl-D-erythritol 2,4-cyclodiphosphate  
synthase mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

TAACGCTGGCGCCAACAACAATACAATTCAACCACACAAAACCAAACAACCTCAGTCTCCTTTCCATGGCCGTC  
TCCGCCCCATTCTTCGCTCTCCGCCCCGCTGCCACTACCTCCCACCAATCCCCTTCTCTTTCTTTCTATCCTCCTTC  
CTTTCCAGAAGAATTTTTACTCCTCTTCTCCTCTTCTTCTCTACCTTCTTCCGTGTCAATTCCGCCGTTTCTC  
ACTCTGTCTCCTCCACCACCGCCATCGAATCCGATTCTCCTCTAAAACCTTGCCGTTTCGGGTGGACACGGCT  
TCGATCTTCATCGGTTAGAACCTGGGTACCCTTTGATTATTGGGGGGATTAGTATTCCCCATGATAGAGGCTGC  
GAAGCTCATTCCGATGGAGATGTTCTACTACACTGTGTGGTTGATGCAATTTTGGGTGCTTTGGGGCTTCCTGA  
TATTGGACAGATCTTTCCAGATTCAGATCCCAAATGGAAGGGTGCTCCATCATCCGTTTTATAAAAGAAGCTG  
TGAGACTGATGCACGAGGCAGGTTATGACATAGGCAACCTGGATGCCACATTGATACTTCAAAGACCAAAGC  
TTAGCCCTCACAAGGAAGCTATCAGAGCAAACCTCTCTGAACTCCTGGGAGCCGACCCCTCTGTCGTGAATCT  
GAAAGCGAAAACACACGAGAAGGTCGATAGTCTTGCGGAAAATAGAAGCATTGCTGCTCATACTGTGGTCTCT  
GTTGATGAGGAGATAGAAGCCCTGTCTCCCATAGTACTGCTGTGTAAGTGAATAACAACAGTGCTCTCCG  
TTTTAATTGGAATATGCTTTATTGTTAAATACTTTGAATTTCCCCCATCCCCTCCACAGTTCCTGCAAAGTGC  
AAACAATTGTAAGTTGGGTGTTACATTAAACGTTTTAATCATTTAACAACGTTGAAAAGCAACAGTATGGTG  
GGAGAATATTAGAAATTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1922 FJ822036|Glycine max cultivar Sinpaldal 2 DnaJ-like protein (DnaJ) mRNA, complete cds

AGAAATCTCTCGAACTTTCCTTGTACATATCATCTGCAAGATATTTTCATCTCTCTCTTCTCTTCTTTCTCTTTC  
TACCGTCAATTGCGCCCTTCCGTATTACCCACACGCCAATCCTTGAAAAACCCAACGCAACCAACTCTCAAATTCT  
TCTTCTTCTTCTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAACTCCGCAACGCTGTTATGGTGATCTGAAAGTCGTTTTTCA  
GTTCTATTTTTCGGTCTTCTGGTTGTGTTTCAAGCTGATTCAAGTTTTTGATGGATCGGGGAGGAGGATCCGAC  
GGCGGGGCTTGTTATTACACTATTCTCGGTATTCTGTAAGGATGCATCTCTCTGATATCCGTAAGTGCCTATCG  
CAAGCTTGCTCTGAAATGGCATCCGGACCGGTGGATGCGGAATCCGGCGGTGGCTGGAGAAGCGAAACGGC  
AATTTCAATTAGTACAAGAAGCGTATTCTAGTTCTCTCCGATCAGACGAAGAGGTCCGTTTACGACGCCGGGCT  
TTACGATCCGACGGAAGAAGACGATGAGGAATTTTGCATTTCATGCAAGAGATGATCACGATGATGAACAA  
CGTCAAACCGGAGGGTGACAGCTTCGAGGACCTCCAGAGGATGTTTATGGAAATGGTCGGTTCAGATGGCGT  
GGGAATGTTCAACATGAACGACAATCCAACGGCCTCGAAGAGGCCACGTCCCAACGGCTCCAGATCTAGCGC  
GCCCCAACGTAGCTCCTCTCGCCGCTAAGATCTTTTTATTTTCCATTGAACAATGACGAAAATATCCTTAGCTGA  
CGTGGAATTTCTGGGTTTGTGAAGGGCAATTCGGTAGGTTTTAATTTAATGTAATTTAGAGCAAGGTCA  
AGGGGCTTTATTGTCTTTTCTTGTAGGGAATCTTTGCTTTTTCTTCTATTTTATTATTAATAATAATTATAT  
AAGCTCATCCCTCTTCTCTGATTGGCTTTCAACCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1923 NM\_123709|Arabidopsis thaliana ETFBETA; electron carrier (ETFBETA) mRNA, complete cds

CTCTACAGCCTGCGTGCCAATCTCGAACTACCCACCAAAGGCAACAACCATTTCTTAGCAATACACAATACCAC  
GATCAAGATGAAGATCATGGTCGCCATTAAGCGAGTCGTCGATTACGCCGTCAAATCCGTGTTAAACCGGAC  
AGAACGGGGGTTGAGACCCAGAACGTCAAATGTGCGATGAACCCCTTTTTCGAGATTGCAATCGAGGAAGCT  
CTGCGAATCAAGGAGGCTGGCTTGGCCTCTGAGGTTGTAGCAGTCAGCATGGGCCAGTTTCAAGTGCCTCGAC  
ACTCTCAGGACGGGCCTTGCATGGGCGCTGACAGGGGCATTTCATGTGGAAGCCACTGCACCCCTTTATCCTC  
TATCTGTTGCTAAGATTTTGAAGGCCCTTGTGAGGTTGAGAAGCCTGGCCTTCTTTTACTAGGGAAACAGGCT  
ATTGATGATGATTGTAATCAAACGGGGCAGATGGTTGCAGGTCTTCTGAACTGGCCTCAAGGGACTTTTGCTT  
CGAAGGTTGTGATAGACAAGGAGAAGCAGGAAGTGACAGTAGACAGAGAAGTGGATGGTGGTCTCGAGAC  
TCTTTGTTTGACTTACCGGCCGTAATCACAACCTGATTGAGACTGAATCAACCGAGGTATGCTACGCTCCCGA  
ACATAATGAAAGCGAAGTCAAACCCATAAAGAAGTTCACTCCACAGAAATTAATGTGAATGTGAAGCCTG  
ATTTAGAGGTCGTTGAAGTGACGGAACCTCCGAAAAGAAAAGCGGGTATCTTATTGTCATCTGTTGATGAACT  
GATTGACAACTAAAAAATGAAGCCCATGTCATTTGATCATTTGATCTCTCCCCTTTTCTAATCCCATTTACGTA  
TTCAGGAATGCAAATAAATACAGTATGAAAATCATAATTCAAGTTGAATAACATGATGTCTGTATCCCCTCATC  
CCTTAGCCAATGAATTTCTTGTTCCTGATTCTAGATTGAAATTTTGTGCTTTTGCTACTAATTGC

>trans\_c\_1924 EU328158|Leucaena leucocephala glycosylhydrolase 1 mRNA, complete cds

CCTATGGAGATTATCCACCTATAATGAGGGAACTTGTAAGGAGAGGTTACCCAAATTTACAAAGGCAGAAG  
TTGCTCTAATCAAAGGCTCAATTGATTTTCTTGGATTAAATTACTACACAGCTAATTATGCTAAAGACAATCCCA  
ATGCACCTGGCCCTCAACCAAGTTACTTAACAGATTATAGAGCTGATCAATCAACTGATCGAAATGGAGTCTC  
AATTGGTCCAAAGTTTAATGCAACATCTTGGCTCGCTGTTTATCCAAAAGGGTTTAAAGACCTATTGATCTACA  
CAAAGACCAAGTACAAGAATCCAATTATCTATATCACAGAGAATGGATACCTTGATATTGAAGGTCCTCCGCTT  
AAGGAAATGCTCATGGACAGACGTAGAGTGAAATACCATCATGATCATTTGATGGCTCTTAAAGAAGCAATTC  
AGGCTGGTGTAAGGGTGAAAGGATATTTGCATAGTCATTCTTGATAACTTTGAATGGGCAAGTGGATATGT  
GATTCGTTTTGGCCTCACTTATATTGACTACAAAACAATTTGAAGAGAATTCCAAAACCTCTTGCCAAGTGGT  
TTGAAAATTTCTCAAAAATTGAACACATTGAGTTACATTGTCCCTCTTATTAATTTGTTCTGTATTGATTTTC



ATGTGCTTTCAATTCATTAATAAGGTATGAAGGAGTTTGTTTTCTTTAGTTTGAAATGAAATTTTATGTTTATC  
CAAAATGGTAGTTGGACCGCCAAAAACGTCCTAGCTACAAAATGAATAAAATAAAATAAACTTTACAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAAACCCCCCAACCCGAGG  
GGGGGCCCCGACCCCAATTCCCCAAAAAGGGGTCAAATAACCCGCCCCCCCCGGGCCCCCT

>trans\_c\_1925 NM\_106155|Arabidopsis thaliana RPS9 (RIBOSOMAL PROTEIN S9); structural  
constituent of ribosome (RPS9) mRNA, complete cds

ATACAGTGCAGTTACAATTCCTTCATTCTGGATAGACAATGGCTACTTCTATATCCTCTCTTGCAATTTCTCTTC  
TTCTCTCTCTTTTCTTCCCAAGTCTCACACAAGCCAACTGCCCTCTCTTTCCCGTTCAAAGTCTCTTCTAATTT  
CCCCCTCTCTCTACTTCCCCACTTCTCGTATCTGCCTCCGCCGCTGCCGCTGTGAGACCGCCGACCTTAAGA  
GTTTCGTCAAATCCAGCCTCCCTGGTGGTTTTGCCGCTCAAACGCTTATTGGTACTGGTCGTGCAAATCTGCC  
GTAGCTCGTGTTGTCTTCGAGAAGGCACTGGCAAAGTTATTATCAATTACCGCGACGCTAAGGAATATCTTC  
AAGGAAATCCATTGTGGCTTCAATATGTGAAAGTTCCTTTAGTAACATTAGGATATGAAAGTAGCTACGATGT  
ATTCGTGAAAGCGGAAGGAGGCGGGCTGTCTGGCCAGGCTCAGGCAATTTCCCTTGGCATTGCTCGTGCTCT  
GCTAAAGTGAGTGATGATCACAGATCACCTCTAAAGAAAGAGGGGCTTTTGACAAGAGACTCCAGAGTTGT  
GGAGAGAAAGAAGGCTGGTCTCAAGAAAGCTCGTAAAGCCCCACAATTCTCCAAGCGTTGAGGTTCAATTTTT  
CCTCTTCAATTGTTTTACGTTCCCTCGTTTCCTACTTTATTTGTACAACCCAGATGTTTTCTTCTACTTTTCTTCTC  
TCTCTAATGTAGTGTGTTCCAACATTTCTCCATATTAATAAAAAAAGTCAACCCAAAATTAATAAAAAAAAA  
AAAAAAAAATAACATGTCCTCGTTGGAATAGCCCTCGTGAACAAGCACAAAAGTAATAGAGAAATTGGAATA  
CATTAAATTAACATCAAAAAATTTTAATATCCACAACCTTGAATTTTTCATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1926 AY109375|Zea mays CL457\_2 mRNA sequence

GGGCCGCCATTCTTCTTCGTCTTCTCCTCCGCTCGCGGCTTAAGCGAATCTACAATGGCTTTTGCCAAAGCTCA  
GAAAACGAAGGCTTACTTCAAGCGTTATCAAGTAAAGTTCAAGAGAAGGAGAGAGGGTAAGACTGACTACCG  
GGCCCGAATCCGTCTTATTAATCAAGACAAGAACAATACTCCCAAGTATCGATTTGTTGTCCGAACCTT  
CGAACAAAGATATTACGGCTCAAATTATTTCCGCAAGCATTGCTGGTGACTTAGTCCTTGCTTCGGCTTATTCT  
CATGAGCTTCCCCGATATGGGCTTGAAGTTGGTCTCACCAACTACGCTGCAGCGTACTGCACTGGGCTTCTATT  
GGCTCGACGGGTCTTGAAAATGCTTGAGATGGATGCTGAATACGAGGGCAATGTTGAGGCTACTGGTGAAGA  
TTACTCAGTTGAGCCAGCAGACACCAGAAGGCCGTTCCGTGCTCTCCTTGATGTTGGGCTTATCAGAACTACA  
ACTGGAAACCGTGTTTTTGGTGCTCTGAAGGGAGCTTTGGATGGTGGATTGGACATTCCTCACAGCGACAAGA  
GGTTTGCTGGTTATACAAAAATAGTCAGCAGCTTGATGTTGAAGTTCATAGGAAGTACATTTTTGGTGGACA  
TGTTGCTGCCTACATGCGCACCTTGATGGAAGATGAACCGGAGAAATATCAATCTCACTTCAGCGAATACATC  
AAGAAGGGCATTGAGGCTGATGACCTTGAGGGGCTATACAAGAAAGTTCATGCTGCCATCCGCGCAGATCCA  
ACAGTGAAGAAATCTGACAAGCCACAACCCAAAGCACACAAGAGGTACAACCTTGAAGAAGCTGACATACGAT  
GAAAGAAAAGCCCGTTTGGTTGAGCGCTTGAATGCACTTAACTCTGCAGCAGATGGCGATGAGGACGACGAT  
GATGAGGATGATGAGTAAAAATGAAATTAGCAAAACACTTTGAGTTGGTGTCTTCATCCAAGGATT

>trans\_c\_1927 XM\_002326269|Populus trichocarpa peroxiredoxin (PtrcPrx\_Q.1), mRNA

AGAGGGATTTTGAGAGCATATTTTCTCAAAAACCCTCAAATTTTACTCTCCAAAAATGGCTTCTCTTGTTTCAT  
CCAACGCTCTCTCTCACTCTTCTTCTCCCATCTCTGACTCCAAAACCCCATCTTCTAACAACACTTCTTTTCTTTC  
CAGATCCTCTGCTTCCAGTTTCATGGAGCTCAAATTTCTCATCACATTCTCCCTTATCTCTTCTTCTTCTTCTT  
CTTCTTGAAATTTACAATCTCCTCTAAGGTGAATAAGGGCCAAACCCCTCCTCCATTCACCTTGAAAGATCAG

GATGGAAGGAATGTGAGTCTTTCTAAATTTAAAGGGAGACCTGTGGTTGTCTATTTCTATCCTGCTGATGAAA  
CTCCTGGTTGCACCAAACAGGCCTGTGCTTTCAGAGATTCTTATGAGAAGTTCAAGAAAGCAGGAGCTGAGGT  
TGTGGGCATAAGTGGGGATGATTCATCATCACACAAGGCTTTTGCTAAGAAATACCGACTACCATTACATTG  
TTAAGTGATGAGGGTAACAAAGTGAGAAAAGAATGGGGAGTTCCTGCTGATCTTTTTGGTACATTACCTGGA  
AGACAACTTATGTTCTAGATAAGAATGGGGTGTGCAGCTCATATATAACAACCAATTCCAACCTGAGAAGC  
ATATCGGCGAGACGCTCAAATTACTTCAGAGCCTTTAAATCTCTCTCTTGTATAGCTGTGCATTCGTTGTAGAA  
TTAGGAAGGTGTTGTTTGGTATCATTTGAGAGGCAATTATCTAGGTCTGAGTAAGAGTGAAAATGATGAT  
TGTTCTTTTATTGTTTTTTTTTTTTTGGTTACTACTACAAGTGAGATCATGTATATTTGAATCATAATGCGTTC  
AGTGTAGTAATGACTTTCTACTGTAATATGCTTTAGTTTTTTCACAATGTTCAATATTAACCTGTTTGTGTGA  
AAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1928 XM\_002874094|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal  
domain-containing protein, mRNA

AAAGAGAGGATGCTTAAGGTTTCGTGGGAGAAGATTGGTGAGGATTACACTGCAGAGAAATTAAGAGAGAT  
GTTTTCGAAGTTTGGTGAGGTTGAAGATGTTGTTATTAGGCATAACAAGAAGAAAAGTTCGCGAGTAATTGTA  
ATGTCGAGTAAAGATGCTGCAGTTGCCTCTACTAGGGCTGTGCTTGGTGATCTATCTAACCCCTTGCTAGTTTT  
GCCTCTTCAACCGGTTTCTTCAGTTGAGATGCCAGTGCTGAGAGATCACCGGAACATAATCGATTGGATAATT  
TGGTAGGAGCTGGTTACCAAGCATTTGAAGATTCCATTTTAAAGAACTCCAAAAGGCTGGTGAGAAGCAAA  
AACAATAAGTTAGCGCTACAAGGATCAGTTGTACGTGTAGCACCATATGAATTGAGAACACCCTTGTCATGGA  
TGTTGAGACCTTTGAGAGGTACCTTCAGTTGTGGTTTATGCATGAGAATCATGGTCAAGATGAGAGCGATACC  
AAGTAAAGTTTTCTCATTAATAATCTGACTCTTGTCATAATAGCAATTCAATTGAATAAATCTTGACAGAAAG  
AACTAACTCAAGTTACGAGGATCGTTTATACTGCTGAAGTTTTGTTGTAAGTGCTGTACTGTATCTTATTCC  
ATTACTCTATTGAAGGTCGTTTATAGGCTGAATGATTCATACAAGTCAAAGGTTTGAGTAGCTAGCTAGTTTT  
ACTTCTGTAGAAGTAATCCTTAGTAGCATTGTATAATTTCTCATCTGTACTTGTATCATCGAACATTTCTAACTC  
TTAACTCTGTTCCTTGGTTTCCCCTCTATTTATTTTACGGCATTGTTGAGTTGATAGCTACATGATATTGTTT  
TCAATTGTTTTTGTCTCTGGGAATGTAAAAGTTACAGCAAGTCAAATAGCAAGCACTACGTTAGCATTCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1929 AY075661|Arabidopsis thaliana At2g32760/F24L7.10 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTCTTTTTTCTGTTAGAAAGACAAAGAAAGGAAGGAATTCCAATGGTTTCTTGAGGCTTTTTTACA  
GTTGTTCCGAAGTGGAAAGACGATGACGCCGAGCCGTTGTAACCTCTTCAACTCGAACATCCTCCTTTCTTTTC  
GACTCCTTCATGGAAAACGACAAACCCCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCAGACTCCACCAGATTATCGGATCCG  
GAAAATGCCAAGGTTATTGAATGGGAGGACTTCGAACAAGAGCTTGCCAGGCTATGGAGTCTCTCTTCGGCA  
CTCCAGGAAGCGAAGCAACAAAAAGAATCTCTTAAGCAAAAGCTTGACTCCTTAATTCAGATTGATTCCCAGT  
CAGTTAGTCGGTCAAATGAGCTTGCTGAGATGCGCGAGAACTTGAAGCGAGGAAATGTATTATGGAGAATA  
TGGGGATGCGTTCTAACTTGTATCAGAGGATGTGAAGAAACAAGAGGAAAGTCTTAGCATTGAAGTCAGAT  
CACTTTTGGTTGCTGGGACTGCTTATCTAAAGCTAGGAAGCGATTGCAGGAGTCAAATAGATTACTTTCTGG  
GGAAGAAGGCTATGATCGCCTTAAAAGCTTACAGAAGACGCTGAGAAGAAGACAGCAATTTATGATTTCA  
AGTTGCATTTCTCTATCCCGTAAAAATATCGACTGGACCTGCTAAGGATCAAGAGCTCGAATCATTTCCAGCA  
CTAGTAGATTAGGGAATTCTTCTGGATCTAAACCTGTCAATCATGGATCTTTGACAATATTAGGTCTAAATTTG  
AATGTGCTTCCATTTAAAAAGATGAGCTTCTTCAGCGACAAGAAAGAGACTCAGAGGTCTGCATCTGCCTTGG  
GATACGTAGCTCATGCTGTCTCCTTATATCTTCATATCTAAAAGTTCCTTACGCTACCCCTTACGCTTGGGTGG  
TTCTCGTTCCTACCTTTGTGACCACTCTCCTTCAATATAACCCACGTCATCTGCTTCCTTA

>trans\_c\_1930 DQ787027|Glycine max bZIP transcription factor bZIP100 (bZIP100) mRNA, partial cds

TGTTGAGCAAATGACAGCAAAAGGCAGCGACTGAAAACTTGAATTTTAAATAAATTCAAGTTTTTTTTTAA  
TGTTTCAAGATTTGTCTTCATTTTAAATCAAACCCCTTTAACCTAATTTCCAATAACTGAGATTTGATTGAGAGA  
GAATGTAAGTTCATGACCTAAAGTATTTAACTTTGCGTCAACTCCTTCCATTTCCATTGCATTTTTGAAGATC  
TCTGTCTACCAATCAGAGCATTGTTGAACTTGTGAAGTCAATGCCATGGAAAATTCCAAGGTGTTGTCAAAC  
ATGAGAAATATGATTTCTCCGAAAGCATGCTCTACTTCCTCCTAAGAGTCCAGTTCCTAGTGGTTCCTCCAC  
ATATTCCGAGTATCTCCCTAATCCATTATTGGGTCAAGAGCAGTGCAGAATCCCAGAGTGGGAAATGTGAAC  
CATCATAGAACATCATCTGAAAGTCTTTGATGGAAGAACAACCTTCTGGCTTGATGATCTCCTCAACGAACC  
CGAAACCCCTGTTCAACGAGGTGGCCATCGACGTTCAAGTGACTCCTTGCATACTTAGATGCAGGAAAT  
GTTTCGAATGAAAATTATACACAGGATGACTCCCAATGTAAAAATATGTATTTACCTTCTGGGCATCACAAGA  
TTTCGATTCCCATCAAGCTTCATTATATATGAAACCAAGCTGGAACAAACAGAAGAACAGGACACGGGAATTG  
CCTCCAACACTACATTGACAACTAACCCAGGTGGCCGCCCTTCTGCCAAAATAGCATTCTTCTGAAAGCTTGAG  
GACGTTGAGTACAGCACAGGAAGCAAATGAGTTTTCTCAACAACACTGAAAAGCTGGATTGAGCCGAAACT  
GCTCTGCCTGATCGAAAGTTATCAGAGAGAATGGACAGTTCATATGTTAAGCCNAGACCGACTGATACAGATA  
ATAAAAGAGCTAAACAGCAATTTGCTCAACGATCGCGTGTAAAGGAACCTCAATAC

>trans\_c\_1931 FJ190669|Capsicum annuum cultivar Maor ANANTHA (AN) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAATAATTCACCTTGAATAATTG  
CATTTCAATCATAAGTTGTGGCTACATTGCACATATACAATTTACTAACCTTTTGATGAAAAAACTTCTCTTTTT  
CATCAACCATGTGGAGTAGTCTTCCTTTTGATCTCCTTGCCAACATCTTCTCCTTCCTATCTCCAGATTCTTTGGC  
AAGAGCTAGATCAGCTTGTAAGCATTGGCATGAGTGCATCGATACTTGCCCTTTGAACACTGAGCCAATTCCA  
TCGCAGTGTATCCTTCATGGTTCATAGCCTTGCCATTGCGAGCACACAAGCTATGTTTTGCTCATAATCCAATT  
CTTGACAATTGGCATAAGCTCTCACTTGAGTTCCTTCTGATTTAGTTAAACCAATTGCAACAGTTGGTAGTCTT  
CTTTTTTAAGATCTATAAGTTCAGTTGTTCTACAATTGATCCTATGCAATCCATTCACTACCCAATTTGCGGTATC  
TTCCATGGCCAAACATCATTAGAACTAATCCAGCTGTGGGAGTTGTGATACAAAACACAAGCCAAGACTCTCA  
GATTCCAGACTTCAAGGTGTATGTAGCTGGGGGAATGTCCATGGCACCACAAGGTGGCACCACATATGAATC  
AAAGTTGGAATGTATGACTCGAGAAACGACTCATGGCAAATCGTAGGATCACTGCCAGTAGAATTTGCTGT  
GAGGTTAACAGTCTGGACTCATAATGAGAGTGTGTAATGAGGACTCTGTATTGGATAACCTCGGCAAGG  
GCATTTAGTGTGATGGGCTTTGATGTTGACTCAAACAATTGCAGGGAATTGCAGGTGCCAATGGCTGATAGAC  
TTGAATTTGCTGCACTCACATCTCGAAATGGAAGGCTACAATAGTAGGCGGCGTATGTGGTGAAGACGCCT  
GTGTTTGGGAGTGTAGAGATGGAGATATGTGGGTGCTGGTTGAGAAG

>trans\_c\_1932 NM\_113645|Arabidopsis thaliana PUX1 (PLANT UBX DOMAIN-CONTAINING  
PROTEIN 1) (PUX1) mRNA, complete cds

AACTTCGCTTTCTTTCTTTGCTCAGGGTTTGTGAAGATTCTTACTCTCTAGCACTCAAGAGAAGGAGGTTTTCCC  
ACACCACCAACTCCACGGCTGACCAATCATCTAAGGGCAACCTACTCGAGTTATTAGGCCAAGTTATTGAGCG  
TGAAAGAAAAATATGGACGAGAGATCCGCGTATTTGAGACAATGCCACCGTCTTCATCAACAGAGGAATTACC  
CAACGCTGGAGAAGAGCCAGATGGTTTTATGAATTTACAGCGGAAGACTATTATCGAGTGTTAGCAACCAAA  
AAGGATGATAAATATTTAAAAACACGAAAGTTGAGAGAGGCAGAAGAGGCAGCTCGTAGGTCAAAGATAAC  
GAAGGTCAGTGACGAGTTCGCTTTCCTGATAACCACACTTTAGAGGCAACGTTTCATCCATCTGAAACAATGC  
AGACCTTAGTTGATCTTCTTACCAAAGTAGTTGCTCAACCAGAACTGCCATTTTATATATATACCACACCTCCCA  
AGAAACAGATAAAAGACTTGACGCAGGATTTTTATTCTGCTGGGTTTGTTCTGGTGCAATCGTCTACTTTTCA  
TACGATCTACCTGAAGGTGAATCAGTGGGTTCGGTCTCTTACCTTAACGAAGATGTCATGTCGTTAAAAGGTCT

TGAAATCGTGAGCGAAGAAGAGGAATCTACTTTGGCTGTTGCAGAGCCCAGAACAGCACCTCTCTTCCTGCC  
CCTACTCCTGTTGTCAAAGAAACCAAGCCTACTGATAAGAAAGCTATCAAACCCAAGTGGCTGAAAATGTAAA  
GACTACTGCTCATATTTTGTAAGTCTACTGCAAACCAGCTTTGATGGGGCACTGGTAGGGAAGCCAGTTCTA  
GGCCTGAGTCAAGATGAGAGTGGACAGAGAAATACTTCAGAAATTGTGTTTGGTTGAAAGGAGTTGTAAGGT  
GATAAAGTTGTAGAGTTGGTTTTTTTTCTTTCTTCTTGTCTGTTGTTGAACTTG

>trans\_c\_1933 S79308|Rac13=21.8 kda GTP-binding protein [Gossypium hirsutum=cotton plants,  
cv. Acala SJ-2, boll fibers, mRNA Partial, 913 nt]

AAACTAAAAAGCCTTCTCCCCTCTTTGCAATCATCATTTCCCTTCCTTTCTGTTCCAAGTGGTTGGATTTTAGAG  
TTTGTGTTGTTCCAACCTACAAAACCTCCAACCCACATTTTACTCTCTGCTTTTTGTCTTCTTCCATTCTTCTACAA  
ATTTGTATGTTGTTTAAAACCCTGTCTTCTTATTAACCAACAACAACCATTACAAAAACATAAACACAGAGGAC  
CCCTTCCTAAGTTATGAGCACAGCCAGGTTTATCAAATGTGTCACAGTCGGCGACGGCGCCGTCGGGAAGACT  
TGTATGCTCATTTCTTACACTAGCAACACTTTTCCCACGGATTATGTTCCGACTGTGTTTGATAACTTCAGTGCC  
AATGTAGTAGTCGATGGCAGCACTGTCAATCTTGGCTTATGGGACACTGCTGGACAGGAAGATTACAACAGA  
TTGAGGCCTCTGAGCTACAGAGGAGCCGATGTTTTCTATTGGCATTCTCTTATAAGCAAAGCTAGTTATGA  
GAACATCTTCAAGAAGTGGCTTCCTGAACCTAAACATTATGCTCCAAATGTACCCATTGTTCTGGTTGGAACCTA  
AGCTTGATCTACGAGAGGACAGAGAGTATTTGATTGATCATCTGGAGCAACTCCATAACAGCAGCTCAGG  
GGGAGGAAGTGAAGATGATTGGGGCAATTACATACATAGAATGCAGCTCCAAAACCCAAAAGAATGTTA  
AAAATGTGTTTGATGCGGCAATAAAGGTAGCGTTGAGGCCTCCAAGACCAAAGAAAAAGGCTCGCAAGCAAA  
GGACAACCTGTGCTTTACTTTGAACTTCACAACCCATCCCTAATCACTTTTAATGGAAAAATTATTCCTATGG  
TTAAATAATTTCTACGCTGAAATCACACATTTATTGGACGACCATTCAATAATTTTTCTATTTCTTTGTTAATA  
TATATATATATGTTCCCATTTGTAAGAATTGTGGAGGTATTTTCACTCCATC

>trans\_c\_1934 XM\_002869872|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytidine/deoxycytidylate deaminase  
family protein, mRNA

TGACTTTAGAACCATGCAATCACTATGGTAGAACTCCACCGTGACAGAGGCTCTAATAAAAGCCAAAGTGAA  
GAGAGTGGTGGTCGGCATGGTGGATCCCAATCCAATTGTTGCTTCCAAAGGCGTGCAACGACTAAGAGATGC  
AGGAATTGATGTGACTGTCAGCATAGAAGAAGATTCCTGCAAAAAGCTTAATGAAGCATATATTCACCAAATC  
TTGACTGGGAAGCCTCTTCTCACCCCTAAGGTACACCCTCTCTTTAAACGGTTGCTTCCTAGATCAGGTTGGGAA  
AGGAGCTGCAGAAGCTGGTGGCTACTATTCTCAACTATTACAAGAGTACAATGCTGTTATAATTTCTCCTCCCT  
CATCATCTGAGGAGTTCGAAATTCCTTCATCCAATGAACATGGAGCCAAGCAACCCCTTTGGATCATTCTATCG  
AGTCCCGATGGTTTCGATCCCTGTTCTCGCATTACCAACCCAACTACCAAAGTAGTTATCTTAACAAACAAAGA  
AGAAGTAGTAAGCGAGAGAGGGATTGAAACGGTAGTTCTGGACCAATTAATATGAACAACATTTTGAATTA  
CTGCCAGAGCCAAGGACTAAACAGTGTAATGTGGGATGTGAGAGCAAAGTTGGGAGTTCATGAAGAACTAAT  
AAAGGAGGGAATTGAGGAGAAATTGTTGCAAAAAGTAGTTGTGGAAGTGTGCCACAATGGAGTGAGAGCC  
AGAGTGAATCTTGTTCAAGAGTATGGCTGAAAATTTGAAGTTGAAGTGTGTTGGAGCCAAGGATGTGTGGAC  
AGAGTGTGATTGGAAGGCAATCTCTAGCATTGGACATCACAAATTTCAATTAACACAAATGAAGGTAATA  
CCTTTACCAATCTTTTTTTTTTTTTCTAAATATAATTCAGTATTATGAGCTAACTAAATATGGTTAAGGCATTG  
CTTTCTCTTAAATCTTACTTCTTCTATATTTGTGTTGTAATATGAAAATAAGTGTAACCT

>trans\_c\_1935 BT020408|Arabidopsis thaliana At5g15330 mRNA, complete cds

AACAAACAATTTTATTATTCCATCTTTTTCATCTCCATCCATCCACATTCCATTCTTCCCAAATTCATCTTTCC  
CCATTGATTACCCCTCTGATTGCTCTAAATTCATTTGTTTCTCATTTCTTTATCTTCAATCCTTCGAGCTTCCGGC  
TATGAAATTTGGGAAGGAGTTCAAGACCCATTTAGAACAAACCCTCCCTGAATGGAGGGATAAATTTCTCTGT

CACAAGCCTCTCAAAAAGCTACTCAAACATTACCCTAATCTCCCTTCTACTCTTTATCCAATACCCACTAACCATT  
CTCTTAATTTTCTTCTTCTCCCCTCAACCCCCTCCTGTTTCATTTGACGATCTCACCGAGGCTGCCCCCTGTGA  
AACTGCTGCTGCTGCTGCTTCTTTGGCTGATCTTCAAGATTGGTTTGTAAGGATTCTCAATGAAGAATTGGAAA  
AATTGAATGATTTTTATGTTGATAAAGAGGAAGAGTTTGTTATTGGTTCAGGAGCTAAAGGAAAGAATAGA  
TCGTGTGAAGGAAAAGAGCAGCAGGGGAGGTGTTTTACATCAGAGAATGAATTCAGTGAAGAAATGATGA  
ATATTCGTAAGGACTTTGTTGCCATTCATGGAGGAATGGTGCTTCTGAAAACTATAGCTCCCTAAATTTTGCA  
GGCACAAGCAGTTTTACTGAATTATTTTCATATTTTCTCAAGGACTAATTAAAATTTTGAAGAAGTATGATAA  
ACGTACGGGCGAACTGTTGCGTCTTCTTACATGCAACTCGTAGTACGTCAACCTTTCTCACCACAGAAGTTCT  
CACAAGCCTGGTTCATCAATGCGAGGCAAACCTTGAGCTACTCTTCCACTGGAAGCAGAAGTTATTGAATCA  
ACACCAGCCTTACCAGTTGATCCGAACCCTCCCTCTACTGATAACTCCAAAAATACTACATCCAAGACACCTTC  
GGACCTTGGGGAGGGAAGCGAGAATTTATATCGAAGCATTGTTGCT

>trans\_c\_1936 XM\_002321150|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb2  
(Lhcb2-1), mRNA

ATCTAAAACCCACCTTCAGCCCTCCTTTGGCATTGCATCAAACCTTCTAGAAAGCTTCACATACTCATGGCCACC  
TCTGCTATTCAACAGTCAGCCTTCGCCGGCCAGGCTGCCTTGAAGCAATCCAATGAGCTTGTTGAAAGGTCG  
GTGCTGTCGGTGGCAGCCGCTTACCATGAGGCGGACAGTCAAGAGTGCTCCACAGAGCATTGGTATGGAC  
CTGATCGCCCCAAAGTACTTGGGACCATTCTCTGAACAAACGCCATCTTACCTAACTGGAGAGTTCCCCGGTGAC  
TATGGATGGGATACAGCCGGTCTGTCTCAGCAGATCCCGAGACTTTTGCAAAGAACCGTGAGCTTGAGGTGATC  
CACTCCCGATGGGCCATGCTTGGTGCATTAGGTTGTGTCTTCCCTGAACTCCTTGCAAAGAATGGCGTCAAGTT  
CGGTGAATCAGTTTGGTTCAAGGCTGGTTCTCAGATCTTCTCTGAGGGTGGTCTAGACTACCTTGGCAACCCA  
AACCTTATCCATGCTCAGAGTATCCTTGCAATCTGGGCTTGCCAGGTTGTGCTCATGGGCTTTGTTGAAGGTTA  
CCGTGTTGGTGGCGGTCCCCTCGGTGAAGGACTAGACCCAATTTACCCAGGAGGTGCCTTCGACCCACTCGGA  
TTGGCAGATGACCCAGATGCATTTGCTGAGTTGAAGGTCAAGGAACCTTAAGAATGGAAGGCTGGCAATGTTT  
TCCATGTTGCGATTCTTTGTCCAGGCTATCGTCACCGGCAAGGGACCTATTGAGAATCTCTTTGACCATGTTGC  
AGATCCTGTTGCCAACATGCATGGGCTTATGCAACCAACTTTGTTCCCGGAAAATGAAGAAACCTGTAGGAA  
ACAACAATCTGTTTTACCACACTTAAGCATCTCTGAAAATCATATGTTGATGTAATTTCTCAAGTAGAGACTCC  
CTGAAATTAATCTGTATCATTAAAGTTCAAAATTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1937 XM\_002875843|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata octicosapeptide/Phox/Bem1p  
domain-containing protein, mRNA

AAAAGAAGCGATCTCTTCCCTAACAACTTCTTCTTCTTCCCCTCTTGCTCTCTCTTTTCGCTTCTGGAGACTTCT  
TTTCGTGTACGATTCGATTTGCACCAACGGAATTTGGTTTACTTGAACCTCACTTACAGTTAGATATGAGGTCT  
GGTGCGCGTAACGGAAGTTCCGGAACCTTGAAGTTTCTCTGTAGTTATGGCGGCAAGATTCTTCTCGTCAAA  
CCGATGGTAAACTCCGTTACGTTGGTGGTCTTACCAGAGTTCTAGCTGTCTGAGCGCTCTGTTTCGTTTTCTGAA  
TTAATGGTGAAGCTTGGAGAATTCTGTGGTTCTTCCGTTACATTGAAGTGTCAATTGCCGGGAGGTGATTTGG  
AAACGTTGATTTCTGTTAGATCCGACGAAGATTTGGCTAATATCGTGAGGAATACGATCGTGCTTCTTCTCG  
TTGTCTCATCCTCTTAAAATCAGAGCCATTCTTTCGCTCCAAAATCTCTCAAGCAAATTTCTCCTCCGTCAAGTG  
TGGATTCTACTCTTCTAATTCTCCTTGCTACGGCGCTGATTCATTCCGAGCTCACCGCAATACGGAAACAGC  
GAGCGGATCTCTTCTCCTTCGTACAGATTCATCCGTGCGATTCTTTCGCTCCTAGTAAATACTTCGTGCGACCA  
AGGAATTGCCACGGAAGAAGTTGTTGCCATGGGAGCCCTAGGTTTTGTACTCCGGCCCCAACTGCACCCACT  
GGAAGTGAAGTTTAAAAAATCCCTAAACTCAAGGCGAGGACTCCGCATATAAAAAAGTACAAACCCTAGGTT  
ATTAGACGATGACGACGAAAAAACAGAACAAATAGATTGATTTTGGCTTGTGATTAATTGATTGATTGTT

TGAATATAGCTTTTAAAAAAGTTTCGAATTAATTCATTTACATGTGTTCTTCAAAGAAATTGATTAATCCGGCT  
GGAGTTTTGNCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1938 AY058059|Arabidopsis thaliana At2g37940/T8P21.15 mRNA, complete cds

GTTCAAACTTGCCCACTGCCTCCCCCAAAAGTATCCTCGAAGTTTTCTTGATATTTCCAAGGGGTGACTGT  
ATGGTTGTGGAGACTTAATTTCTCATCACACATGATCTTTACTCTTGTTTTCTGCGTTCATATCAGATATATG  
GTAATCAGAGGTTTATAAAGCAGTTGGGGTGGTTACTTGCTATAGTTCAGAGTTTCTTAATTGTAGCCTCACGC  
AAACATTACACTGTTGATGTTGTAGTAGCATGGTATACAGTAAACCTTGTTGTATTCTTTGTTGATAAGAAATT  
GCCAGAATTGCCTGATCGAACAAATGTCGCTGTATCTACACTATTACCGTTGAGTACAAAAGATAGAGATACC  
AAACCAAAAGATGAGAACCACAAGCTCATCAATGGAACTCGGGGATCCTGCAGATAGGAGGCTGAGAAC  
TCAAGTAAATGGCAAGATTCTGAAGAGGGAAATACAGTTCATATCAATGGCTCGATAAATGGTGCTACATAG  
AGCAACAGTTTTTATAACCGAAGTCACTGTTTGAATAGAAGGGTCCCAGACAGGATATAATTAATGTGTTTTCT  
TTTTGGATTATTCAAGAACCATGAAAATGTAATGTTGGATAATTGTCAAATTACATTTCAAGTCCAATTTTG  
AATTGAAGGAATGGAAGTTTCTTTCTTTAAAGGAACAGTAATTAGAAGCTGGCAGTGAATAGTTTTGTGCA  
AGTATTAGAAGCGTTAGAAGGAAGACTAAGAACCCATCCTCAATTTGTTTCTCGATAAGAGTATAACTTAACT  
AGCACAAATTGGCATGACGTCCATCTTTAGAATTTGGCTGTTGAATCTTGTATCCTTGAACTTGATTGTGTTG  
TAATAAGAAAAGAAATTAGTATAAATCATTATCTTTAACTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1939 NM\_114826|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT3G49660) mRNA, complete cds

ACCAATGGATGATTAATCTTACAATAATCCTTCATTATCGCTAAGATATGAAAGATCCAAGTTTGTTTTGAAGA  
AAAACTGGGGTTTTGTATTTTCATATCCCCGCCAAATCTTAGCGCCGAGCTGTAAGAGAAAATCTCTCATCCC  
GTTGGGCGGTCTGAAAATCGGAGTAATCTCTACTCCCTATCATCGGAGCCGGAGAATTTGAGTCTTCACTTCG  
CCTTCATCTCCGTTTTCCCCGTTGGGTTCATATTAACACCTTGGAATTGCGTTTTTCATTGACAGATTGAAG  
AGATGTTATCGGAGCCATCTCAAACAGATTCAATAAACCTTACACTCTATCCCAAACCTAACATCCCATAAG  
CGGTGTATTTATCCGTCAAATTCTCTGCAGATGGCCGTCTTCTGGCTCTTCTCCGCCGATAAAACCTTCGC  
ACTTATTCTTGCTCAAATTCCACTGTGACCCAGTTCAAGAATTCCAAGGTCATGAACAGGGTGTCTCTGACTT  
GGCTTTCTCTCCGATTCTCGTTTTCTTGATCCGCCCTCCGACGATAAGACTCTTCGCCTTTGGGATGTCTCCACT  
GGATCTCTTGTAAGACGCTTAATGGCCATACTAATATGTGTTCTGTGTTAACTTCAATCCCCAATCTAACATG  
ATTGTATCTGGTTCCTTCGATGAGACTGTCCGCATTTGGGACGTCAAATCTGGCAAGTGTCTTAAAGTCCTTCC  
AGCTCACTCTGATCCTGTCACTGGCGTGGATTCAATCGCGATGGTTCGCTGATTGTTTCGAGTAGCTATGAAT  
GGGTTGTGCAGGATTTGGGATGCGTCTACTGGTCATTGTGTGAAGACTTTGATTGATGATGAAAACCCACCCG  
TTTCTTTCGTCTAGTTCTACCCAATGGGAAATTTATTCTTGTTGGGACTTTAGATAATACGTTGAGATTATGGA  
ACTTCTCTACTGGAAAATTTCTGAAGACTAATCCGGGCCATACCAAT

>trans\_c\_1940 XM\_002307870|Populus trichocarpa histone acetyltransferase complex component  
(HXA902), mRNA

ATGATAATGAGGCTGAGCAGCTGTTAGCGGAGATGGAATTTAAGGATGCTGATGGCGAGGATGAGCGAGAG  
CTGAAAATGAGAGTTTTGCGTATATACTCTAAGAGGCTAGATGAGAGGAAACGGAGAAAAGATTTTATACTA  
CAAAGAAATTTACTTTATCCAAGTTCCTTTGAAAAGGAATTATCAGCTGAAGAGAGGGCAATATGTCGTCAAT  
ATGATGTCTTCATGCGTTTCCATTCAAAGGAAGAACACGAGGAATTGCTTCAAACAATTGTTGCAGAGCATCG  
GACCCTGAAAAGAATTCACGACCTTAAGGAAGCCAGACTGGCTGGTACCGCACACCCGGCTGAGGCAGAGAT  
CTTCTTGATAAGAAGAGGAAAAGAGAATCTGAAGAAGCTGAACGTAGAGTGAAAGATGGTAATCTTACAGG

CCCTGGAAGTCAGGGGAATTCAATCATGTTCATACCATCCGAATCCGCTGGCAAGGATTCAAATTCACGACCA  
GCAGTGCAGGCTCTTTCTGGCTCTGTCAACGACTTTGATATGTTGGGATTCAATGGCGCAGATTTTCTTTCTGA  
AGCTGAAAAAAGACTCTGCAGTGAAATTAGACTAACTCCACCACCTTTACCTAAGGATGGAAGAAGTTTTATCA  
GTGGAGATTTTCAACGGTAATGTCACCAAGAAATCTGATGCTCATCACTTATTCAAGATTGATCCAAGCAAAAT  
TGACAGAATCTATGAGATGCTCATCAAAAAGGGGATTGCTCAGTCTTGACATTATTTGATTCTATCCTTCATTG  
TTCCAATTTTCATTTTCTTTTGTAGTTCAATTATTTACCCCTTGATGCAATGGAAGGAAAGTTAGAATTTAGTC  
ATCTCTTTGGAATGTAGGAGTAACTGACCAGTATTCATACTAGAATAGAATGCCATATTATTAATTGTGTTAT  
ATTATAGCTTTAAATCAAAGTCCTTTTGTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1941 NM\_001054799|Oryza sativa Japonica Group Os02g0772300 (Os02g0772300)  
mRNA, complete cds

AACCTTGAACAAGCCCAAACATTTTCTACCAACGACGAATCACCATATTTGAATCCCCACTGAAATTGTAGCG  
AAGCTTCTCCGGCGACTTGCAGGCTGCAAAGCTTCAAAGTATCCGCCGTTTATCCGATGTCTTCTACGGCTAG  
TTACATTCTTCTTTCATTTATCTATCACCGTATCTTTAAGAAGGAGTGTCTTGAAGCCTAACAATGGATTTGGA  
GTTCTATTGGGAATCAGAAAGTGTCAAGCAAGTGGCAATTAAATTCATCGAGATTATGCGATGAGACCATGG  
GGTGGCTATTGGCAATTGTTGAAACAATCATATGGAGAATAAAGGTTTGCTTCTCATAGTCGTTTTGAGAAC  
AACGGTTCTGGTGATTCTAATAGAGACCAAAGTTGGAAGCGAAGAAAGATACTTGAGCAGAAAAAAGTCATG  
GATCAACTTATTGATGTTGCTGGCGCTCAAAAGGACCATCTTTCATCTTTCCATCCTTTCACCACTTCAACTGC  
GGCGGTCTTCTTTATACCTGCAATCAGGCCATGGCAATAAACTTTCTCATTCTGTTAAGAAATACGTTCAAAAT  
CTCCTCAAGATCAATATGGCGGGGCCATATGGATCCCAGTGGCCAACTGAAGAGAAGGTGAAGCACAGGGA  
AATGGTTTCAACACACGCTCATTATATATTTGTGCACGAGACTTCAAATGCTAATGCCAATGGGATGTCTTCAA  
AATCAGATGCGGAGAAGACACCCACTACTCTAAATAAAAAGGATCCCGTGGTTGCATTTGTACACTTTGATTT  
ATATTAGAAGAGACGATTCCGGTGCTTTATGTATATGAACTGCAGATTGAGCCTCGTTTCAAGGGAGGGGTT  
TGGGGACTTTCTTAATGGAGTTAATTGAGCTTATTGCTTGCAAGAACTGCATGGGTGCGGTGGTTTTCACTGTT  
CAAAAAGCTAACTCTAAAGCTTTGAATTTCTACCAAAGCAAGCTGCGTTATACCAT

>trans\_c\_1942 NM\_001060353|Oryza sativa Japonica Group Os04g0608900 (Os04g0608900)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTAGTTGTTTTTTGTTCCCTTCTGTGTGTCTGAAAAGATAAATTTAAAATCTGATAGGATAAATA  
CACAAAGATAAGCACACCAACAAATCACCTTCTATTTGCATCTGCCTCTTCTTTTCCACTTCTTCTTCATCTGT  
CTCTCTTACCTTATTTGACCTTAACATTTTCAATGTGTTGAGTTTTTTTCTTTTCTTTTATAACATAATATC  
AGTCTGTTGTATCGGCTGCGTAATGCAACACCTGAAACGAGCCTTACGAACTGTTGTCATGATCTCAGTTTGC  
GCATTCTCAAGCATTCTGACAACCTTCGGTGAATGATGGCCTAACATCAGGATTGGGATCCCAGCACCGGGTCA  
TGATGTCGCTCAAAACAGGTAAGCAATCATTGGGAATGATAGGACGGACTCCCTGTTTACAACGCAAAAGGC  
AGCCTGAACAGCTGTCATGTTCTGGAACGGAAGCATTCCAGTAATGAGCTCCACAGAACGATACCAAAGCTA  
TACAGGTCCACCTTTTGTGTGTAAGGCCTGTGTTGGATCATCTCCGGAGCCATCCAGCGGTAGGTTCCAGTCTC  
AGGTGTCATTCTTCTGTCTGCACCTCAATCCGGGCCACTCCAAAGTCAGCAACTTTGATAGACTTGTCTGCAA  
AAATCAAAAGGTTGTCTGATTTCAAGTCCCTGTGAATAAGCCCAAGGCCATGAACATATTCCATCCCCCTGGCA  
ACATCCAAAGCTTGTGTTGACAGCCAATTTCAAGTGGGACAGAACGACTTTGTCGCCTCATCAAGAATTGCCTAAC  
TGAACCGCCCTTTCATACTCAGTAACAATGCACCAAACCATCGGCTTATGGCATGATCCAATAAACCGGACA  
ATATTTGGGTGCTTCAGAGTAGCAAGCATCATCACCTCTGCTGATATTGTTGCTCCATTAAGTGGCTTTTCC  
AGGTCACTCTCTGGCCTCTCAAGATCTTGATAGCAACATCTTCG

>trans\_c\_1943 NM\_119551|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C family protein / PP2C  
family protein (AT4G33920) mRNA, complete cds

TCTCAAACATTTTCATGCCATTAACCTAAATTTCAACAATCCCCATCTCATATTCAAACATACCCATCAAGTCCC  
ATATCTTCATTTCTCACTTTCTTCCATTTTCTGATCATATTTCACTCTTTGATTGTGATTTTAATTGAAACCCATGA  
TGTTGAGGTCGTGTTTCCGGCCGCTCGAGCGGTTTCTTGCCGGTGAGCGGTGATGGATTGCTCTGGCACTC  
GGAATTGAAGCCTCATGCCTCTGGTGATTACTCGATCGCTGTTGTTTACGAGCTAATTCTTGTCTTGAGGATCAGA  
GTCAGGTTTTTCACGTCTCTTCTGCTACTTATGTTGGTGTTACGATGGTCATGGCGGGCCTGAGGCTTCTCG  
TTTTGTGAATAAGCATCTTTTCTTATATGCATAAGTTTGCTTCAGAACAAGGTGGACTATCGGAGGATGTTA  
TTAAGAAGGCGTTCAATGCTACAGAAGAGGAGTTTTTGCCTTTGGTTAAACGGGCATTGCCTGCAAAGCCGCA  
GATTGCTTCAGTCGGATCATGCTGTCTGTAGGTGCAATTTCAAATACAAAGTTGTACGTTGCAAATCTAGGTG  
ATTCGAGAGCCGTGCTTGGCCGTAGAGGTTTCGGGCAATAAGATAACACCGGTAGTTGCAGAACGATTGTCTA  
CTGATCACAACGTTGGCGTTGATGAAGTTAGGAAAGAAGTTATAGCACTTCATCCCGATGATTCTCATATAGTT  
GTCTATACCCGTGGAGTATGGGGAATAAAAGGCATAATTCAGGTTTCAAGATCTATTGGCGACGTTTATTTAA  
AGAAACCTGAGTTCAACCGGGATCCAATATTCCAACAATTTGGGAACCCCGTTCTTTAAACGACCTGTAATG  
ACTGCAGAACCATCAATCCTAACACGAGAGCTTAAACCCCAAGACTTATTCCTCATCTTTGCATCAGATGGCCT  
ATGGGAACAACCTAACCGATGAAGCAGCAGTGGAATAGTTTTCAAGAACC

>trans\_c\_1944 NM\_001123866|Arabidopsis thaliana CPuORF29 (Conserved peptide upstream open  
reading frame 29) (CPuORF29) mRNA, complete cds

ATATTTTCGTTGTTTGTTCACAGCCCCAAACCAACCCTAACCTAACTTTCTTCTTCTCAATTCCATTTAAA  
TACCCCCACCACTTCTTCTTCTCATTGTTCCCCATTCTCAATTTCAATTTTCATTTTCGTCCATTGTTTT  
TTCTAAAAGTTTGATCTTTATTCAATCACCCCCCGTTCTTTTCCCCTTTCCCTCTCTTTGATTTTAGAGACCCC  
TGCAATTTGAGAACGACCCTTCTCGGTTCTTTCTTTACTCTGTGATCGTTTTTCTTTCATCCGCCGCAATAG  
ATCGGAGAATTTTGAAGATTTGTGAATGGTGGAAGAAAATTCTAGTAGTAGTAATTACATGCGCTCCCTTTT  
GGATTCAAGGGCGAGCGCTCGTCTTCTTCTGCTGCTTCTTCTTTCGCTTTTGTTCTTGCAAGGAAGGCTG  
GTACTACCGCTGCCTTGAGTTGACCCTTGAGAGATTTACTGTTTCTCCTCAACCCATTACAAGGAATTTTTT  
ATTTTTGTTCTAAACAACCTTTTGCGATTTCTCTGTTTTGAATTTTTTTATCGCGGCGCTAGCTTCGGTAAATT  
TTGTCGAGGCTCTCGTCGATTGCTGATTCTCTGTTTGGGATATAATCTGAAGGAAAAAGAAAGAGAAGGGATT  
GGGATTTTGATTGATATTTTAGTTTACGAAAATGTTACTGTATAAGCAGAAGAAGAATCAGAATGTTAAGG  
GCAACAGGCTCTTGATCAGTATTAATGTCCTAGGCAGTGCTGGTCCGATTGATTATTGTTAACGAGGAGCA  
ACTTGTTGCTGCTGTTATTGATACCGCGTTGAAATCATATGCGCGTGAGGGCCGATTGCCGATTCTTGGGTCC  
GATCTTAGAGATTTTCACTTTACTGCCAAATACTGGACCAGATGCCTTGAGTCCATGGGACACAATTGGATC  
GCACGGAGCTCGAAACTTCATGCTATGCAAGAAGCCAC

>trans\_c\_1945 NM\_001062515|Oryza sativa Japonica Group Os05g0506000 (Os05g0506000)  
mRNA, complete cds

AAACTTGAAACTCCATTTTCATGTTGTTTATAAACTTCTGCTGGTGATAGTCCCTATGTTTCGAGCTAAACACGT  
CCAGCTCGTTCAGAAGGATCCAGAAGCAGCCATAGTTCTATTTTGAAGGCAATCAATGCAGGAGATAGGGT  
AGATAGTGCTCTTAAAGACATGGCAGTTGTCATGAAACAGCAAGACAGAGCAGAAGAAGCCATTGAAGCTAT  
AAATTCTTTCAGGGATCGCTGCTCCAAACAAGCTCAAGAGTCATTGGACAATGTTCTCATTGACTTGTACAAGA  
AATGTGGAAGAGTTGAAGAGCAGATAGATCTTGAAGCAGAACTTCGAATGATTAATCAAGGAGAAGCCT  
TCAATGGAAAGGCCACAAAGACAGCTCGGTCTCACGGAAAGAAGTTTCAGGTCACCATTAGGCAAGAGACTT  
CAAGGATACTGGTACGTACGGACATCCATCAATTCATTCTTTGCTATTTGAAGAAAAGAAAGCTTCCAAATTT  
GGGTGAAAACCAACTCTTTTACTTAATAACTATAAAAAACCAACGAGAGCCTAAGATACCAAAAAGGTACT  
CTTCCCTATGAAGGGATGGTGCCATCAATGAAAGGCATAGAGAAAGAGGTTAAACCAAAAGCACCATTGCAG  
GGGAACCTTAGGATGGGCATATATGCAGCAAGAGAACCACAAAGCAGCAGAAGCTGTATATCAAAAGGCACA



AATCATAGATCCAGATGCTAACAAGGCTTGCAACTTAAGCTTGTGTTTGATGAAGCAATCTCGACATTCAGAA  
GCAAGGGCGGTGCTCGAACAAGTGCTACATAACAAAGTTGGAGGATCCAACGACCAAAAATCAAGAAAACG  
AGCTGAAGTATTAATGAAGGAATTGGAAGAAGCTGAATTGGCAAACAAGTTGTTGATGATGGGTTTGAGTAG  
TGGGGGAAGTGAAGATTATGATGGTGATGGATTATCAATCAGTCGGTGATGAACCAAAGGTCGCCGTT

>trans\_c\_1946 NM\_121626|Arabidopsis thaliana HEAT repeat-containing protein (AT5G16210)  
mRNA, complete cds

TATGTAGCTTTGCTTAGCTAACTTCACTATAATGTTAGACTTCTAGAGCACTAAAAGGTGTGGCTGATTTGAC  
TCTTTAACTCTCTTAGATAGTGGAGAAGATAAGGGTTCAAATGGATGCTTTTCTCGAAGACGGATCTCATGA  
GGCTACTATAGCTGTGATCCGTGCATTGGTGGTGGCTGTACCTTTACAACAGAAAGACTTAGAGATTATATC  
CTTGGCCGTCGTTCTAATTACTACGAGCATGTAAGACTGTTTTAGTTGACTAATAAGATGGCATATTACTTTAT  
GGACATTATCGTATATATTAGATCATGTAGTCTACTTGTACTTTAACATGTTACATCTTCTATCCAAGATCTTT  
CAACTCTCAGCCGACCCACCTACGTCAAGTGCATTGATGCGTCGCCATGAGAGAGCTGATGCATTTTGTGAGG  
CGATCCGTGCTTTGGATGCTACAGACCTATCGCCAACCAGCATAACGAGAGTTGTTCTTCTACCATACAAAAC  
CTTTTAAGGGATTTAGATGCTCTGGATCCAGCACACAAGGAAGCTCTTGAAATCATAATGAAGGAGAGATCAG  
GAGGAACATTTGAAACCATCAGTAAGGTGATGGGTGCACATCTCGGAATTGCGTCTCGGTTACCAATTTCTT  
TGGTGTGATGGTGGGATATTGGGAAAGAAAGAAAGTCTGGAGCCAATTCCAAGCGAACCAGTTGAGCCACC  
AAATCCGACACCGCCGCCACCAGCTGAGGACACTAGGTTTCAGACGAATCATGCGAGGAAGTTTCACCGACAT  
GCTCCGTGGCAAAGTAAAAAGTCAGGACGATTCTCAGAGTCTATGATATTGGAGACTTCTTGCAAGAGCATCC  
ATTCTGGCATGTGTTATTCTTTCTTCTCAGTATAGTCTAGCTAAAACCTGTTCTCTTTTTTTTTTGGTCTAATT  
ACATAAAATGAGAATACCATGTCTAATAAGGTTACATTCTTTCATTAAATTATA

>trans\_c\_1947 AY136431|Arabidopsis thaliana expressed protein (At4g15545) mRNA, complete cds

TTTCTGCTCTCGAATCCGAATCCTCCGCTCTCCTTGCCCAAATTTCCGAGAAGGATGCTCTCATTGCAGAGCTGC  
AATCCCATATCGAATCCCTCGATGCCGCCTTATCCCAGAAATCCGAAATTCTCACTCGCGCCGAGCAGGAAAA  
GGAGACGTTGTTGCAAGAGAACGCTTCGCTTTCTAACACCGTGAAGAAGCTCACTCGAGATGTCTCCAAGTTG  
GAGGTCTTCAGAAAGACGCTTATGCAGTCCCTAAACGAGGAAGAGAACTCCACAGTCACTGGAGGTTTCAGAG  
GCTTCAGTTAAAATAGAGAGCCAGGAAAGTTTGCCCTCTGCCTCGGCCGTTGAAGATGATCTGGCATTGCCAC  
CATCTAAATACTCATCAATCCAGAGTAACACTTCTGAAACAGTGAATTCTGTAAAAGAAGAGCATGAGGCAGA  
TGTGGCGACTTCAAGGCCTCGTATATCAAACAGCCTTCTGTTAGCATCACAGACTAGCACTCCTCGGCTGACGC  
CTCCTGGTTCTCCTCCATTCTTCTGCATCCGTGTCTCCACGAGAACATCTAAACCTGTTTCCCCTAAGCGTCA  
TTCGATGTCAATTCTGTCTCAAGGGGGATGTTTGATAGGACCTCGATGTATTCGTCTGCAGGAAATCACAGTT  
CAGTTTCAAGTCTCATGGAGGAACTCATACTGGACGAACTCGAGTTGATGGGAAAGAGTTCTTCCGCCAAGT  
GAGGAGCCGTTGTCTTATGAGCAGTTCAGTTTCATTCTTAACCAATGTTAAAGAGTTGAATGCCACAAGCAA  
ACAAAAGAGGAGACTCTTCGGAAGGCTGACGAGATCTTTGGCCCAGAGAAAAAGGACCTGTTTACTATATTT  
GAAGGTTTGATTACTCGTAATGTACACTGAAAACGCCATGGATATAGTGTATGTAAGCACCAGTTTCGTACGC  
TGTCGACTACTATTTTCATCTTTGTATCTATACATATTCATTTTGACTTCAATGAA

>trans\_c\_1948 NM\_121147|Arabidopsis thaliana serine-rich protein-related (AT5G11090) mRNA,  
complete cds

AAACTAACGCCCCGAGGGGCCCCCTTTGAGGGAAGCACAACTAAGAAGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTC  
GCTCTCTTCTCTCTCTTCTCTCTCTAATGGTGACTTCATCTTCTTCTTCTCGAAAACCAGATCCAGTGGCCCGGTG  
CTCCGGTCACTCTACCGGGCGGCCGATTCTGTAAGTCTCTTCTTGTCTTCTTCTCCTCAGCGTTTGCTTCAT  
CTTCAAGCTTTTACTCGTCTTCTTCCACTTTCGTCACGATGACCATCGTGATTTTCCCACTCATAATCATCAAAC

TAGATCCACATCTCCCAGCCGTGTTAATGTGTATTTCATCTCCTTCTCTTACGCCTTCTGTCCGTTTTTTTATTGAT  
AATCGTTTCGAGTTCTCCGAATCGATCGGTTATCGTTTCCAGGAAAAATAGGCCGGTATCCAACGTCAAGAGGA  
CTTGATGTGCTCTCCGACCACGCATCCAGGCTCGTTCCGGTGTAGTCTTCATAAAAACGTTTCGAGTGGCGGT  
GGCCATAGTCAAATGGTGTCTGTTTCTTCAACCAGATTGAATATGTGGAGGTCGGCTATGGCGAATTTCGATCG  
TAAGAATCGGCGGTGTGGAAGGAGAGTTGGTGAAACGAGCATTGACCACGCTGATTTCGTCCTTCTTCGCATC  
AGCAGAGAAGGAGAGCGGCATTTCAACCTAGATCTAGTCGTCTCTGTTCATGTCGAAAGCCGACGACGCTTG  
AAATTGCAGAAGGTACGGTGATGTCTAAAACTTTATGATCTCAGGTTTCGACGAAGTGGATCGGTTTGTGAACG  
TTTCTGATTAAGAATTATAGAGAAAAAGAAACACCACACGCAGAGCATAATCTTCGTGAAGGAATCAGTGGTG  
AAATCTAGTAGAATCAAATTCAGATTGTGTTTGTGTTTACTGAGTTTGTGACTCGTGATGAGTTCAGCTTTT  
GATTTCAAGCGGTACTGGGTCGGCTCACCGAGTTTTGTACGCTGA

>trans\_c\_1949 HM183494|Leymus chinensis delta 1-pyrroline-5-carboxylate synthetase (P5CS)  
mRNA, partial cds

GGATTTAGGTGTCTTGTGGCGTTTCGCAAGAGCGTTTTTGGAGTAATATTGTCATATCTGACTAACGATACCAA  
ATACCAAATTTATTTTTGATTTGATTCAGCAAACAGTACTGGCTTAATTGTAAGTGAATGAACTATGTTACCTCCC  
TCCTTTGACTTTGATAAGTGTATTTCTTCTAGGATCTTGAGTTGTGGTAGTTTATTAAATATAAAGGTTGA  
GTTGGGTTTTAGTGCCGTTAACACCGAGTTTAATCATACTCAGATTATCATTGATGTGTGTATAAGGATGGTTT  
TGATCAGATGTTTCTGAATATGTTACCATTAATGTGAGTCAGGGAACCAATTTACTGTCTTGGAAAAACAAGGAT  
GGTTGACTTGCTGCATTGTTTACTGGATATGCATGAATTGTTGATTGATTGTTTCAGAGCTTTCAAACGTATGTTT  
GCCTTGATCGAAATTTTAATTAATTTTCTCATTCTCCTCAAATTTAACAATTATGCTATCTTTGTTAGTATGTTTT  
TCTCATTGAATAGAAGTCATAGGTCAGAACTAATATTATAAAAAGATAAACTGTTTCAGAGCTTTCAAACGTATG  
TTTGCCTTGATCGAAATTTTAATTAATTTTCTCATTCTCCCCAAATTTAACAATTATGCTATCTTTGTTAGTATGT  
TTTTCTCATTGAATAGAAGTCATAGGTCAGAACTAATATTATAAAAAGATGAATAAAATAGTGAATTCAGTGA  
CACTTCTCGAAATTTCTGTTCCAGTGTTCTTAATTATTATGTCCTGGTAGAGAACTCACAATTTCTGAGAACTTA  
ATTGTAATGAATTCTTACCGTTGTGTTATTATTATTATAATAAGTTTCGTTATACAAATGCTTCTTTTTTCAAGT  
AATATTATTACATGTATATCCANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1950 AY338488|Medicago truncatula cyclin T1 mRNA, complete cds

AACTCAACGTGCAACATCCCTATGCTCCTTATGTCTGTTCTTAATAATATAGGTCTTTCACAGTCGATCTTGG  
TGAATCTTGCACTGAACTTGATCAGAGAAGGGTAAGTTCATCACTTTATTTATTCCACCCGTCCATTTGATTTAT  
TAATGTTAAAAGGGAATTAACATGCAATACATTTGCACGTGCAAGATACAGATCATGCAATTTATTGCTTCTCT  
GCAATTATTTTGTCTTGCAACTGCTTCAGGAATCTTTCTGGATTGTCTAGTCTATTTAGTAAGCATGCTGTAGC  
CATTGTGAAAAGTAAGTCAATGATGTAACCTAAAAAATTAATTTGGGATATATGGGTGCAAGAACCTCACTG  
GAATGACAGATTTCTGACTTTTGGCGTTGATTGTGACATGAAAGAGGATAATGATGATCTTCTTTCCTTGATC  
AAAATGGATCTATGCACGATTACCATGCTCGCTATTTGATATACTTAGATGGAGGATTGATTTGCTGTTTCATG  
GAACTTTTGTGTTTACAAGTGAAGTAATTTTAACCATGAATACACCCGATCAGCTTGATACTTGATGTGAATGA  
TTGCCAAGGAACCTACTGCACCACTTTCTATCTTTTCTTAAACAAAAAAAAAAGAAAAATTCTAACTCTCCCTGG  
AGCGTCAATTGTTTTATAACCTAGAGAAGCACTGCCAATGATCTTGTGTTTCGATCTTATTTCACTATGATGGAT  
GGTCAAGTGAGTTGAGTTGAGTAGAGAATTTTTTCTGATCAACTACTTTGGACGAGCTTCTATTCAGCACAGA  
ATGAGTCACAATATAGTGATTTAGTTTATGATACAATCTTCTAGGTCGGTCTTTCAAGTTTCAAGAATCAAGT  
GTACCTATGGCATAAATAACCTGTCAAATCGCCAAGTGAACCTAGCTTAGCTTACATAAAGGGTCTACCCTCGA  
CTAAAGGTTTGAGATTTGAATCTCCCTGCCCCATGTTGAACC

>trans\_c\_1951 XM\_002875800|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAATGAAAGAAGAGAGAAGACCGAGTCCGAGACACAGACAAACTCAAAGA  
TCCCCTTCGTTACACAAGGCTTGGAAACAAGCGGATAGTGTACCGATACACAGTTTTCTTTTTTTGTTTTGG  
AGGGAGAGAGCTAAGACTTTCTTTTTCAACCTCTGATTTTGAAGCTGAGGGTTTCGAGAATTGAGGGAAA  
CTGAACACAAGAGATACGTTTGAAGGAGCTTTGTTTTGTACAAGAATGGGTGATCACATGGTTTTGTGCGT  
GGACCGCCTCATTACGCCTGAAAGTTTACAGTCGCTGCAGGGAACACTGCTCCAGGATCTTCTTTAGAATCTT  
CATCTTCTCAAATTCGGAGCCACCTGTTTGTGCTATTGCTGTTGAAGATGTGGATGAACATGATGGATCTGAA  
GAAGATCCCCTTATTACAGACAGTTGAATGTGAATATGTCAGGAAGAGGACAGTATTAAGAATTTGGAGGTTT  
CTTGCTTGCAGTGGCAGCTTGAAGTATGCTCATAGGAAATGTGTCCAGCGATGGTGCAATGAGAAGGGAG  
ATATAACTTGTGAAATCTGTCATCAGAATTATCAGCCTGGTTATACCTTGCCCGTACCACCCCTCGATCGGAA  
GATGCCACCATTGATGTGAGTGAAGTTGGGCAGTCTCTGAACTGCTTTAGATTTGAATGATCCACGACTTT  
TGGCTATGGCAGCAGCAGAACGCCACTTTCTTGAGGCAGAATACGATGAATACGCCGATGCTAGTGCGAATG  
GAACGGCATTGTCGCTGCTGCTGATTTTGTGGCTCTTTACTGTTGAGGCACGACTATACCTTACAA  
ATGGTGATGGAGAAGATGATGCTTACACGTTCTTCTCGCTTTTATTGCTGCGAGCTGCTGGGTTTCTTCCCT  
GCTACATAATGGCGTGGGCCATCAGCATACTACAGCGTCGAAAACAAAGACAGGAAG

>trans\_c\_1952 NM\_001068166|Oryza sativa Japonica Group Os08g0359500 (Os08g0359500)  
mRNA, complete cds

AGGGAGATTATTTGTAGCTAGAAAGTACTAGAACCCCTCATTCGCTCTTCTTTATCCCACTCATACCGCCCA  
CTTGCTTATCTTCTGACTTTAGGGTTTCTGTTTCTTCTCCCTAATACTTTCTCTAGGGTTTTCACTTTTCTTC  
CCATCGTCTTTGTATAATCCGAAGCAATGAGTCGTCATCCTGAGGTGAAATGGGCTCAGAGACTGGACAAAGT  
CTTCATCACTGTTCAACTCCCTGACTCAAAGGATTCTAAGGTCAATCTTGAACCAGATGGAGTATTCATTTCTC  
TGGTAGTGCTGGTTCGGAGAATCATCATTATGAACTGAAGTTGGAGCTTTTCGATAAAGTTAATGTTGAGGAA  
AGTAAAGTTAACATTGGAGTTCGGAGCATATTCTGTATCCTAGAAAAGGCAGAGAAGGGATGGTGAAAAA  
GCTATTGCGTGAGATGGAAAACCAACCCATTATGTCAAAGTAGATTGGGACAAATGGGTGGATGAGGATGA  
AGATGATGGAAGTCTGGCCTAGGTGACTTGGATTGGGAGGCATGGACTTTTCGAAATTCGGCGGTATGGG  
CGGCATGGGTGACATGGACATGGGAGACATGGGCGATATGGGAGATGATAACGACTCCGATGACAGTGATG  
ATGATGAACAAGAGGTGTCAAAGCCAGAAAAAAGCGGCGATAAGGTGGAGTCTGCAAAGCCGGAGGGTGA  
AATCAAAGGTGGAGTTGGGTCTCAGAAGAGAAAAAGGAAGCTGCAGCTAGCACATGATTTTGCGGGGTTCA  
TAAATAACCAAGCATTTGATAATGTTTTCATAGTTGTGGCTTGAATTTTGAAGCTTTATGATGTGGCCTATTCA  
TCACTGTGTAATTTCTCTGGAAGTCTATTTTGAAGTCTTAAATCTTTGCAATCCAGGAAAAAATATTATTC  
ACTAGTCTATACTAGATGATGCATTAGAAATGAGTGGAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1953 XM\_002864428|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2755, mRNA

AGATGAAGCAAGGAATATTGTCAAGGAGAAAGGAGAAGCTGTTGCCAGTCTGAAGGCTGCTAAAGCCAGCA  
AGGAGGAAATTGGTGCTTCTGTTTTGGAAGTGAAGAAAGCAAAGGAGAATGTTGCTAGATTGGAAGAGAGA  
GCAAAGCTTAAACCAGGCATTCCAGAGAAAGATGGGAAAGTTGATTATACTAAGGATTTTTTCGCTCGGCAAG  
CGTTCTTGACTGTTTCGGGTCAGCTGCAAGTTGAACTTATGCCTGTGCCCTAAGTAGTGATACACCTTTGGA  
CCAACCTTCCGTGCTGAAAAGTCTCACACTTCAAGACATCTTGCAGAGTTCTGGATGGTTGAGCCTGAAATTGC  
ATTTGCAGATTTGCAGGACGATATGAATTGTGCGGAAGCCTATGTGAGATTTATGTGTCAATGGTTACTTGAC  
AACTGCCTAGATGACATGAAATTTATGGCTGAAAAGTATGACCGAAGTGTATCGATCGTCTCAAATGGTCT  
CTTCAACCCCTTTGTTTCGAGTCTCTATACAGAAGCAGTTGAACTACTTGAGGAAGCCGTAAAGAAGGGCAA  
GGAATTTGAGAACAAAGTGAATGGGGAATTGATTTAGCTTCAGAGCATGAAAGATACTTGACTGAGGTTGT  
ATTTAGAAAGCCTGTCAATTGTCTATACTATCCAAAAGGAATCAAAGCATTTTATATGAGACTCAATGACGACT  
TGAAAACGGTAGCTGCAATGGATGTTCTGTACCTAAGGTTGGAGAATTGATTGGTGGAAGCCAAAGGGAGG

AGCGGTACGAGGTTATTCGTGACAGGATCAAGGAGATGGGTCTACCACTTGAACCGTATGAATGGTATCTTG  
ATCTGAGACGATACGGGACAGTCAAGCACTGTGGTTTTGGTCTCGGCTTCGAGCGGATGCTCCTATTGCCAC  
TGGCATTGACAACATCAGAGATGTTATTCCTTTCCAGATATCCAGGACGAGCAGACCTATAAT

>trans\_c\_1954 XM\_002323235|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit  
(CHR929), mRNA

TTGAAGAGAAAATTCTTCAAAGAGCTAGTCAGAAAAACACTGTTTCAGCAGCTGGTCGTGACCGGTGGCCATG  
TTCAAGGAGACATCTTAGCTCCTGAGGATGTTGTATCCTTACTTCTGGATGATGCCAGTTGGAGCAAAAACCTA  
AGAGAGATTCTATTGTGGCAAAGGATAGACAAAAGAAAAACAAGCAAAGGGTATAAGAGTCGATGCTGA  
GGGCGATGCGTCATTGGAGGATTTAACGAACCCGGAAACCCGGGTACTGAATACGATCCATCTCCTGATCCA  
GAAAAGACTAAAGCTAACAGTAAAAAGAGAAAAGGTGGTTCTGAAAAGCAAAATTCATCAAAAGCTCGAAGT  
TTACAAAAGATAAACGAAATGAACCCAGTGGTCGACTTTGACTTGGACGACTCCCGGCAAAATCTTGAACCTC  
AAACTCAGAAACCAAAGAGACAAAAGCGACCAACCAAGAGTGTAATGAAAACCTTGACCAACAACCTACCT  
CCTCAAACGTGGGAATTTTAGAACAGACTCAATATCCACACTAGCATCAGTCGCAAGCTGGATTCAGTGCTGG  
CATATATGTTGCCATCCTACAAAGCAACTGAACTTCGTTGCGGAATTTGATCAGATTGATTGATGTCGTAACA  
TGACACCGAAGAGAAGATGGTAGAACTCACTCGTCATCCTTGTGACATGGTCGGTCTCTAATTTGGGATGGT  
GTTTCGTTTGTGTTTTAAGATAGCCAGTGAAGGAGCTCAGCGAAGCAAATGGGAGAAGCTTTGGGAGAGCTTGT  
GTATATATTATTCAATATGAAGCTTGGGGCCATCACTTACCATTTCAGGTAACCTAAATTTCTGTATTGTTAT  
TTTTCTTTCTTTTGGCGGGGAAATCCTTTGTAATTATATTGATATTTGTATATATATTTCCGGCTTCTTGAGAAGA  
AGCTATGTTCTTTTGTCTATATTACTAAATTCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1955 HM640007|Medicago truncatula somatic embryogenesis receptor kinase-like  
protein 3 (SERKL3) mRNA, complete cds

ATTTTGGCTTAGCAAAGTTGGTTGATGTTAGGAAGACTAATGTCACTACTCAAATTCGAGGGACAATGGGTCA  
CATAGCACCGGAGTACTTGTCTACTGGAAAGTCATCCGAAAGGACTGATGTTTTTGGTTATGGTATCATGCTTT  
TAGAATTTGTTACAGGACAACGTGCAATTGACTTCTCACGCTTAGAAGAAGAGGATGACGTTTTACTACTCGA  
CCATGTTAAGAACTAGAAAGGGAAAAACGACTTGATGCCATTGTGATCGTAATCTAAATAACTACAACATT  
CAAGAGGTAGAGATGATGATTCAAGTGGCATTGCTGTACACACAGCCATGCTCGGATGACCGTCCAGCAATG  
TCACAAGTCGTTCCGATGCTCGAAGGAGAGGGATTAGCCGAGAGGTGGGAAGAATGGCAGCATTTGGAGGT  
GACTCGCAGACAAGAATACGAAAGACTGCAGAGAAGATTTGAATGGGGAGAAGATTCAATACATAGACAGG  
ATGCAATCCAATTATCTGGTGAAGATGAGGCACCAAATTTACCTCCAAATCTCCCCACCTTTTCATCTCTCTT  
AGCTATGAAGCCATATGGAGATGGCAGTTATTGTAGTTAGGTCAGTTTTATTGGTGCCGAATGTTTCAGAAAGC  
CTTACCTTTTCATCTCCAGTTTGTAATTTCCATTGGCTTTTGCTTTCTTTCTTGGCTATGCATCTTTTGTAAAT  
CCTGTATTCCCCAATTTAGCATTTGTTGTGGCTGAACTTTGTAATACAGCCAATTCTACAAAGTCATCATATTC  
ATATTTGGCTTAACATTTGTCATGTTATAGTATTCATTTTCCCTCTTTTGGATTTTAAATATATGTTTTACTTC  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTAACCATACCCGCC  
AACCCAGGGGGGGCCCGGGACCCATTCCCCCAAAGGGGGCCTAATACCCC

>trans\_c\_1956 NM\_127571|Arabidopsis thaliana LCV1 (LIKE COV 1) (LCV1) mRNA, complete cds

TATCTTTGGTCTTGGATTTGTAACCTCCATTACATTCATCTTCCTGGTTGGTGTGTTTATGTCATCTTGGTTGGG  
AGCATCTGTTCTGGGCCTTGGGAGTGGTTTATCAAGAGGATGCCATTTGTGCGTCATATCTACAATGCTTCTA  
AGCAAATTAGTTCTGCAATATCGTCAGACCAAACTCACAGGCCTTCAAGGAAGTAGCTATCATAAGACATCC  
TCGTATTGGTGAATATGCATTTGGTTTCATCACTTCGTCTGTAGTTCTCCAGGTAACTGAAAGCAAACAAAT  
CCGATATTTTCTTTGAAAAATATCAATTTATTCTTCTAAACGTTGCAGGTTAAATCAATTAGAATCTTAACTTT

CCTTAGTGAACCAATTTAAACCGTCGTTCTGAAAACCTATTACACACTTGTTTTTCAGATTTCAACCTTTTCTCTAAT  
TTTCTGTAAATCCTCAGCATTTAAAAATGTTTTTTACATGGTGAAAAATTATGTATTCACAGTTCTAAAGCAGAC  
CCCTAGTGAAGGGTCTAAATTGATTGTGTGAAAATTTTATTGATACAATTATTTGCTTGAATTTTAAATTGATTA  
AATCTACAAAAATTTGTGGTGGTGAGGGGGAGTGTTATTGAGCAATAGTGCTCAGCTCAGACTTCGGAAAAT  
GCATTTGCTTTCTCCTCTCACCTAAGTAAACTTGATTGTCTGACCCTTCTTTTTTGAGGCAGAGCTATTCTGGGG  
AGGAGGAGCTATGCTGTGTCTATGTTCCAACGAACCATCTCTATATTGGAGACGTTTTCTTGGTTCATACCAAA  
GATGTTATTAGACCAAATTTATCAGTTTCGAGAAGGAATTGGTGAGGCTTCATTTCACTTTTTCTTGCTTGCTT  
GTTGCATAAATTTCCCTATATTAGAAATGCTACTAATGTCAAGTCCAATATAACTGAACTGAACTATCACTCCG  
AGGCTTTGTAAAGTTGGTATTCAATTCTCAATTACATTATA

>trans\_c\_1957 NM\_203248|Arabidopsis thaliana BON1 (BONZAI 1); calcium-dependent  
phospholipid binding (BON1) mRNA, complete cds

GAACTCAAGGAATTTTGATGGCATAACAAGTGCCTCCATAATGTGTCTCTTGCAGGACCAACTCTTTTTGGG  
CCTGTGATTAACAATGCTGCATTAATTGCCAGTCAGTCTCTTGCAAATGGTGTGCGGAAGTACTTTGTTTTGCT  
AATAATCACTGATGGAGTGGTAACCGATCTCCAAGAACTAAAGATGCTCTTGTTAAGGCATCCGATCTGCCA  
CTGTCCATTCTCATTGTTGGAGTGGGTGGAGCCGACTTTAAAGAAATGGAGGTTTTAGATGCGGACAAGGGA  
GAGAGACTTGAAAGTTCAACTGGACGTGTTGCTCTCGAGATATAGTCCAGTTTGTTCCATTTGGGATGTAC  
AGGGGGTTTTCTATGGTTCAAGCCCTGCTAGCAGAAATACCTCATCAATTTCTGACCTATGTTGGAAGCAGAGA  
TGTTCAACCAATTCACGATCATCGTACCAACAGCCTGAGATATCAAATCACTTTTTGTGTTGCCATCGTTGT  
TCCACTTTAGCTGGAAATATTGGGCAGTTGTGCGATGTTGCACTGAGCTTAAGGACTTTTGTTTATAGTCAGGT  
GTTGCTAACAATGCAGTGGGTATATCCGTTCAATGTTGGTGTCTTTTCCACGGGGACAAGTTTATTCAAGA  
GCGAATATTGTTGGCTTAATGTGCCAGGAACCTTTTTCTATTCTAGAGAAGATGACACCATATTATGGCTATC  
TACTCTTTGATTGACAGAAAGGAATATCAGAGAGATTTCTTCTTTTCATATCTTGTTGCTTGGAATTTATTTGTG  
GATTTTGTGAATACAGTATTGAGCCTTTGGACTTGCATGAATTGCTAAGGTTTCAGAGAAAATTGAATCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1958 FJ870997|Gossypium hirsutum ATP synthase delta subunit 1 mRNA, complete cds

AATGGTTTCGGCAAATCCTCCATTTTCTCAGCTTCCAACAGCTCCAGGGGAACCTTCCACTTTCTCCTTCTTC  
TTCTTCATCTCTCTCCGACCTTGCGAGAGCCGAGCGACCACCTTCTCTCTCCGACCATGTTCCGACGAGCGTCC  
ACCTTTTGGCCCGTCCTTTTCTCTCTGCAAGGACCAGATCCTTCTCCAGCGATCTGCCGGCGGCTGGTTCCACC  
GAAGATGCCTTTGTCTCCGCCTGGAAGAAGGTCATCCCCAATATTGATCCTCCTAAAACCTCTCTCTTTTCATG  
GCTCCTCGTCCTGCTACGCCTTCTTCCATCCCTTCTAAACTCACTGTCAACTTGTCCTTCCCTATTCTCCGAAC  
TCTCGGCTAAAGAGGTTGACATGGTTATAATTCCAGCAACAACCGGACAAATGGGTGTTCTCCTGGTCACGT  
ACCTACAATCGCAGAGTTGAAGCCAGGGGTTTTATCAGTACACGAAGGGAGCGATATCAAAAAGTACTTTGT  
GAGCAGTGGTTTTGCATTCATCCATGGAACTCATACGCTGACATTATCGCTGTTGAAGCTGTGCCTGTAGATC  
AAATTGATGCTGCCAAGTACAGAAGGGTCTCGCCGAATTCACCCAAAAGTTGAACTCTGCCTCAACAGACTT  
GGAGAAAGCCGAAGCCCAAATCGGAGTTGACGTACACAGTGCTCTGAATTCTGCTCTTACCGGATAGTCTCCC  
TGGCTCGTAAATCGGCCACCTTTCGGGTTTTATCTATTTACCAATTGTATGTTTATAACACTGCCTCATTGACAT  
TTTGAGGTGTCTTTTGGTGGAAATACCCTCTGGAACACATCATCATCTTGGGGCTTACCTTTCTTGCTGCTGAA  
TTTGAAGTGATTCAAAATAAATATATTAGGATGGTTTTTTGTGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1959 Z11510|P.sativum mRNA for plastid ribosomal protein CL15

ATTCAGTTCAGCTTATCCATGGCTGCCCTCTTTTCCTTATCTTCAACTTCCTTGACCAGAACGGCCACTGCTCTT  
CCTTATCCAACCACTTCCTTCAAGGGAAATGTTAGTATTCTCAACTCAAAACACCTCAGCATTCTTACCCAAA  
CTCAAATTTAAGGCTGTAGATGGTAAACACTTGGTTGTTGCAACCAGGCTGCTGCTTCTCCCTGTATGCCTC  
CCCCGCCGACAATGTGCGGTTCCGTCTTGACAACCTCGGACCACAGCCGGGTTGAGGAAGAGGGGCAAGAG  
AAAGGGGAGAGGTATATCGGCGGGACAGGGTGGTAGCTGTGGGTTTGGAATGAGAGGACAAAAATCAAGG  
TCTGGACCTGGTGTAAAGAAAAGGATTCTGAAGGTGGTCAAATGCCTCTTTATCGGAGAATCCCCAACTTAGAG  
GAATTGCAGGAGGTATGCATGCTGGGTACCTAAATACGTGCCAGTGAATCTGAAAGACATTGAAGAGGCAG  
GATTTTCAGGAAGGAGAAGAGGTCTCTTTGGAACTTTAAAAGAGAAGGGTTTGATCAACCCATCAGGAAGAG  
AAAGGAACTCCCATTAAGATTTTAGCGGATGGAGAGCTAAGTGTAAGCTAAATATCAAAGCTCGGGCCT  
TTTCATCAGCAGCAAAAGAGAACTTGAAGCTGCTGGCAGCTCCTTAACTGTATTACCTGGCCGAAAGAAGTG  
GGTTAAGCCATCAGTGGCTAAGAACCTCGCACGTGCGGAGGAATACTTTGCAAGAAAAAGGCTGCGGCAGC  
TGCTGCAGAACAGTCATCTGCTGAATAATTGTAAAGTTGCAGGTGGTGACAAATTCCAGGTTAAATCTCTCC  
TTAGTAAGTTTGGGCCTTAGCTAGTTTGTGGGCTTTAAGTCCAATTCCATGCTGTCTGATTGTATTATTGATCGA  
TTTCTAAAGCAAAAATTTCTCTGAAATATTCGTGCTCTTTACTTTAACTGCAAGAA

>trans\_c\_1960 NM\_180027|Arabidopsis thaliana zinc finger (C2H2 type, AN1-like) family protein  
(AT2G41835) mRNA, complete cds

AATACACGGAACTTAAAGCTTCAGAATTTCAATTCCTGTCCAGTTTCACCCAATTAACCTCCTAATCTCTCT  
GTAATCTCTTTATTTCTTCACAATTCGTAATCTTCAAACCACTTTTGATATATATATATATTTTGGGGGTTTT  
AATTTGGGTAATGGGAACCCCGGAATTCCTAATCTCGGAAAGCATTGCAACTTTCAGTATGTAAGCAGATC  
GATTTCTTGCCCTTTACTTGCGATTGCTGTACCAGGTCTTCTGTTGCGAGCATCGTAGCTACAATAGGCATAG  
TTGTCCAAAAGCAGATAGACGGGATGTCACGGTTGTCATTTGTCCGCTGTGTGCCAAAGGAGTTCGTCTCATT  
CCAGATCAAGATCCAAATATTACTTGGGAGATACATGTAAACACTGAATGTGACCCATCGAATTATGATAAAG  
TCACAAAGAAGAAAAAATGCCCTGTACCTGGCTGCAGGGAATTGCTAACATTTTCAAACACGATCAAGTGTCG  
GGACTGCTCATTAGACCATTGTTTGAAACATCGGTTTGGACCTGATCATAAATGTCTTGGTCCGAGAAAACCTG  
AACCAACAGGTTTTCCATTTGTTGGTCTATTAAATAGAAGTAGAAAAGAAGAGAAAGGGCCTAAGAAAGCATT  
GCCGACCACATCCTCCTCCAAGTGGACTGCGTTCCTAATGCAGCCTCATCTGTGAAAGCCTCAGCTGAGGCG  
AGCATGACGAAGTTGTCGAATGAATTCAGTCAAACCTGGATATCATCGAGTAGCAGCAGCAATGGTGTAGGT  
CGAAATGGACAAGTTGAGCAATGTCCACAATGCAGCGCTAAGTTTTATCAGTTTCATCGTTAATAGACCATGT  
TGAAAAGTTTCATGAGAGAGGTGGAAATCGAACTGGGGCGAAGAAGGTTGTGATCGATGCTTGTCCAAAGT  
GTAGTAGAGGATTTGTTGACCCTGTTGCCCTGTGGAGCAATAACTCTCCCTAGT

>trans\_c\_1961 NM\_001058344|Oryza sativa Japonica Group Os03g0833600 (Os03g0833600)  
mRNA, complete cds

CTTCGGAGATGGCTCTTCAGTCGGCGTTGGATTACGCTTGTGGCACTGGAGGGGCTGACTGTTCTCAAATCCA  
GCAAGGTGGAAGCTGTTACAACCCAAATACACTTGAAAACCACGCATCTTTTGCAATTCAATAGCTATTTCCAGA  
AGAATCCTTCTTCTACAAGCTGTGACTTTGGAGGATCTGCCATGGTTACCAACTCCAATCCAAGCACTGGCTCT  
TGCAATTTACCCATCATCATCTTCTCTGCGACGCCGGCATCCATGACGCCGTCGGTTCCAACACAGACACCGAC  
AACAACAGCGCCGATCACAGTCTCACCAACTACAGTTACAAATCCAACAACCTTCTTACCCGTGGGGTCCGGC  
ATGCCAGAAAATGGAAGTCTCCTGCTGGTGCATTTAACACAGACAATCCAGCTTCGAGCATAGGCAGCACAAAG  
GGTTTGGAAGTGAATCCCTCCAAGCTCAAGCACTTCAATATCCATAGCGGCTGGATTGAGACCCTTTACTTGC  
TTCATCATTCTACCATGTCCTTCATCACTCACAGAATAATCACTCTGGACTGATGATGAAATGAAATCACCGAC  
TTCTCCTTCTACTGTACATGAAAAGGCCCTCGTTATTCATAGCTTCAGAATCGTCACCCAGCTCCACCATTAGTG  
CAATTTTTGGAGGAGAAAAAGGAACCAAGAGGTGAGTTAGAGTTTGGAAGGATAAACCACTGCCACTGCCCTG

CTTGAGCTTTTGTGTGTAAGATCAAAGATAGGGATGTATTAGTATTAGCTACTTCCAACCTTGAGACTCTGT  
AATATAATATAATGTTTGTAGAAATTTGGGACTTGTCTTGCTGTTGATCATTGTGCATTAAGATTAATTTTAG  
TTAGAAGAAACAGAGACATAACTCGACTTGGAAGTATTTCTGTTTCCTATGTTTAAGTCTGAATGTTTTTAT  
GGGTTAATGATTAATTTATTGTTTATTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1962 AY103864|Zea mays PCO154745 mRNA sequence

AATCCAAACATTTTATCCGACTTTTGGTATTAAGTTTGGCTTCTGATCCATGTGTCAATAATGAAAAGTTGAT  
TACTCCTCTCTCCCATTTTTGTATTTCTTTCTTTGTTGCCGAAGAAACCTTTCTTTGTCATTCCAGAG  
TTTTCCCCTTGTTTACTTCTGGGTTTTCTTCATTGAGCTGGGATTTTCACGCCATTGCGATCCTGTCTTGCG  
TTCTTTGAAATATTTGAGGTGTTGGAATTTGAAATGTCGTCTCCAAACAAGCGGAGAGATATGGATGTCATG  
AAATTGATGATGAGTGATTACAAAGTGGAGATGATTGACGATGGGCTTAGCGAATTTAATGTTGAATTCAACG  
GTCCAAAAGAAAGTGATACGAAGGCGGAGTTTGAAAATCCACGTTGAACTTCCTGATGCTTACCCATACAA  
GTCCCATCTATTGGGTTTGTGAACAAGATATATCATCAAATGTTGATGAACTATCTGGTTCTGTCTGCCTGG  
ATGTGATTAACCAAACCTTGAGTCCAATGTTTGACCTATTGAATGTTTTGAAGTTTTCTTCACAGCTTTTGC  
TCTATCCCAATCCTTCAGACCCCTTAATGGCGACGCAGCATCTCTAATGTTAAAAGACAGAAGCCAATACGAT  
CAGAAAGTTAAAGAGTACTGCGAACGCTATGCGAAAAGGGAAAACGTGACGAATTCAGGTGCAGAAGATGA  
GAGTGAAGAAGATGTAAGTGATGATGAAAGTGATTCAAGCGACAATGATATTGCTGGTCATGTTGATCTCTA  
AAGGGCCTTACTAGATTCACTCTTTCATTGACACAAAGAAAGATGAAACACATGAAATGATATGTTCCATCAC  
ATGGCTTGTGGAATGAATGGATATTACTGTTTGTGTTTGGCAACTTACAATTAGGCTGTAAATAAAGAATG  
GTTTTCATGTTTTGGGGGTAAAGTGAAGTACACTCCTATATATATGAT

>trans\_c\_1963 NM\_001055072|Oryza sativa Japonica Group Os02g0819700 (Os02g0819700)  
mRNA, complete cds

AAAACCAATGCAAAAAGAACTTAAATATGTGAAATATTTATAATAAGAACATTTAGTTTAGGGTATTTA  
ATGCGAAATTATAAATCATGTGGAACCTTGCTGAGGATCCCGCCGTTACCTGCCGATGGAAATCTGTTCTCTTA  
ACTCGGAGCGTCGTTCCCGGTCTTAATGGCGGCGAGGCGATTTCTCTCTCGCTTTTCGTCATCGGTTACAG  
ACCTCTCTTCGCCCCGAAAGCGCTTCCCCAGTTACCCATTTGCAAATTCATGGTTCTTGACTGGGTACAGATTT  
TTGAGAAGAGAAACCCACACTGAGGCAAATCCAGCAATTGCTGAGGAATCTAAAGACAATGAAGACACTAAG  
TTGAGGCCTATTTCCGAATTGGGTGATCCCTTCATGAAAACAAGGACGATACTTCTTCTGTGAAGTACTCTGT  
TCTCTCAATTTAAACCATCCCTAGGCATGACCTGCCATGATTCATTGCAAAGTCTGCGAGACAAGAT  
CAATCAAGACAGTTTGCCGCGAATCATATGAGAAGGGTGTGGTGGTGGCACGTTGCGGTGGATGCAGCAATT  
TACACCTGATTGCCGACCATCTTGTTGGTTTGGCGAGCCAGGCAGCGTGGAAGACTTCCTGGCTGCTCGTGG  
TGAGGAAGTTCGAAAGGTTCCCTCGATTCACTAAGCTTGACTCTTGAAGATTTGGCTGGAAAGACATCCTGA  
AAATTTTGAACCTTATCTATCTTGAGAGGTGTACAAATAGTTACTTAACTCAGGTTTCGATTTCCGATATTTGA  
TGTTCCGATAAAAGATATTTGAGGTTTGTGTTTGGCGTGAAATTTATAAGAAACAGCACCTGCTGGGAGAAG  
TTTGGGGATTTGGGGCTGCCTAACTGCTCCCTTTAGAACGCAATCAACAACCTCGGATGACCGTCACAATGG  
GCTACAGATGACTGCAGATGTCTTTGAATATATGTATTATTCTATAAGCAAT

>trans\_c\_1964 NM\_105749|Arabidopsis thaliana C2 domain-containing protein (AT1G70810)  
mRNA, complete cds

CCCATTATTTACATCTCATTTTATCTTCTCCATCCACCTCTATTTCTCTACCATGGAACACTTCTTAGGTCTTCT  
CCGAATTCGGGTGCTGCGCGGTGTTAATCTCGCCATTCGTGATACCCGACGACGATCCCTATGTCGTCGTC  
ACCATGGGCAATCAGAAGTTGAAGACTCGCGTGGTGAAAAATAATTGCAATCCTGAATGGAATGATGAGTTG  
ACTCTTTCAGTTGCAGATCTCAGGACTCCGATTGGTATATCAGTATATGACAAAGACACACTAACAGACCATGA

CAAAATGGGAGATGCTGAGATCGACATCGAACCATACATCGAATGTTTGAAGATGGGATTACAGAGCCTCCC  
AGATGGTTGTGTGGTTAGGAGATTATATCCAAGCAGAACAACTATTTAGCTGATGAAAGCCAATGTGTTTGG  
CACAATGGGAAAATTGTACAGAACATGATCTTGAGGTTGAAGAACGTAGAGTGTGGTGAGGTGGCAATTCAG  
CTCGAATGGATCGACGTTCTGCTGCTAAGGGTTTGCCAGTTGGAAGTACGAGTGACTTCTGATTCCTTAAC  
GATGGCATCAGGTAATAGCAATAAATTTCCAGTTCCATAAAAGTTGTAGATTATGTGAAATGAAATAAAGAT  
ATTTGACTTGTGAGTTTGTAGTGTGAATATAACTATGAATTGGGTGGAGAGGATGGGGGCTGGGTTTTCCCTT  
ATTAAAGTGAACTGCTATATGTAATCATACATATGTTTATAAATATTACTATGGTTGTATGTTGGCAGTTATTT  
CGAGAGGGGTAGAGAAAAATACATGTGAAGTGAACTATTGTAGGGAATAGTTAAACATTATTGTGAATGT  
CTACCATTTTTCTTTTAATTAGAGCGTTAATGAATTAAGAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1965 BT025522|*Arabidopsis thaliana* At3g50360 mRNA, complete cds

AAAAAGAAAAAGAAAAGGAAAAGGAAAAGAGTAAAAAAAAAAAAAGAGGAAAGAAGGCGGTCCAATGCG  
AACACTAGTTGATTAAGTTAGACGTTTCAATGGGAACCAATTGTTCTAACATTCAAAGCTTTCGACGTTTGTGT  
TAGACGTTGAGCTTCTCAGGATTTCTTTATCGTGCTGCGACATCGTCTACCATGGCAAGCTTATACAGAGGT  
GTTTCCAGGAAGGAAAAGCCTAAAGGACGTCATGGCTTAACTCCCCAAAAGAAGCAGGAGATTAAGGAGGCT  
TTTGAATTATTTGACACTGATGGCTCTGGGACTATCGATGCCAAGAAGCTTAATGTTGCAATGAGGGCTCTTG  
GTTTTGAGATGACCGAGGAGCAAATCAGACAAATGATTGCAGATGTGGACAAAGATGGAAGTGGTGCCATTG  
ATTATGATGAATTTGAATACATGATGACAGCAAAAATTGGAGAGAGAGACACTAAGGAGGAGCTTACGAAAG  
CATTTGATATTATTGACTATGATAAAAATGGGAAGATATCTGGCAACGACATCAAGCGCATAGCAAAGGAGCT  
GGGCGAGGTCTTCACTGACAAAGACATTCAAGAGATGATTGATGAGGCAGATCGAGATCGTGATGGCGAAG  
TAAACGTTGATGATTTCTTTAGAATGATGAGGAGGACAACATATGGATCCTAGAGGTGCAAGCAGAATGCGT  
ATCATCCACGCAATGTATGACCATGGTAAGTAAAGTTGTGAAAATAAGAGACATGCCAAAGTATTATGTTTGA  
GATGTTTTCATAGTGTAACCTCATTTCTGTTTGAAGATAATTTTTTAAATTTAGAGAGTTTCAATATATAAT  
TTTTATTACTAGTTTGAATTGTGTAATGCTAGTGATTGACGTAGTGACGAATTTATTGAGAAAAGCCATTGAA  
ATAAGAGAGAGCTGGTAAATATGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1966 HQ129856|*Silene latifolia* CSP41A-X protein mRNA, partial cds

AAGCCAACTGATGAGCCTCCCCATGTTGAAGGGGATCTTGTTAAAGCTGACGCTGGCCATGTTGGTGTGAGA  
AATATATGGCGGAGGTTTTGAGCAGCTGGGCTATCTCCGTCCACAATACATGATTGGATCTGGCAACAACAA  
AGATTGTGAAGAGTGGTTCTTTGACAGAATTGTCCGGGACAGACCGATTCCAATTCCAGGCTCTGGTATGCAG  
CTGACAAACATCGCACATGTCAGGGACTTGTCTTCCATGTTAACTAGCTGTAGAGAAGCCGGATGAAGCAC  
ACTCTAACATATTCAACTGCGTAACCGATCGAGCAGTGACTCTTGATGGAATGGCCAAGCTATGTGCTCAAGC  
AGCAGGTCGTCCTGTTAACATAGTGATTATGATCCAAAAGCAGTTGGGGTTGATGCAAAGAAAGCTTTTCTT  
TTCAGGAATATGCATTTCTATGCAGAACCAAGAGCAGCCCAGGAGATTTTAGGGTGGAAAAGCACCACAAAT  
CTTCCTGAAGATTTGAAGGAACGATTTGAAGAGTATGTGAAGATTGGTAGAGACAAGAAAGCTATTAAGTTT  
GAATTAGATGATAAGATACTTGAGTCCTTAAAGTTCCAGTAGCTGCTTAACCCTCCGGATAATTGTGCAAAAC  
ATAGCACTCCAAATCTTACAGTACTTTTGTATATGTATTCTCATTTATTGTACTTCTATCAACTTACCAAAATAAA  
ATGATTTTGAGAGCTGAAGTTTGTCCCTCATTTCTATTTTTGTATTTATAGAAGAAACCAAGAAAGTAGTA  
TAGATTGCATATATTCCCAGGCTCTCTAGCTCTCTACCAAACAAATGTGGATAATGTACCGGCAGTTCTAATTC  
ATTTCTGGTAAAATATATCAAAGTAAACATTGCACTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGCAACCAAAAACCCACAAAAACATAAAAAACCAACAACCTACA

>trans\_c\_1967 XM\_002869283|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* ABC1 family protein, mRNA



TCCGGCATTAGAAGCAATTTGGCAAATTCTGCCGGGAAAGGGTTATCTGATTTTAATTTCCGAAGTGCTACT  
GGAAAGTTCAATCAGTTGGTCTATAATTATCCCATCCGAATACCTGAGAGGTTTTCTCTTGTATCCGATCTCTC  
CTGACTCAAGAGGGAATTTGTTTTACTCTCAAGCCCACTTCAAATTTCTTGAGGTTGCATATCCATACGTTGCA  
AAGCGCCTTTTGACAGATCCAAACCCTGCTTTACGTGAACGCCTCATTCAAGTTTTATTCAAAGATGGAATGTT  
TCAATGGAAGCGTCTTGAAAATCTTATAGTGCTTGCTAAAGAGAACGTTGTTAAGATGAGCAGTAACCCAGCA  
TTGCAGAAGAAAGACCTGCAAGGTTCAAGACAAGTCGTGAATAAACTTGACCTCAAAGATACAATCAAAGAT  
GGCGCTCGCCTATTTCTCATTGACGAAGGAATCCGCCGACAGCTGCTTCTTGCTTTGACTGAAGACTCACAGCT  
TCACGTGCAAGAGCTTGTCGACGTCTACAGATTACTTGAAGATCAGATAGACATACCATCAATGGCCTTGAA  
GTAGCCCGAGATTTTCCATCAGTTGTTCCGGGACCTAATGTTGGCATGGACCGAATCCGTTCTATCAGACAGAT  
AAAGTATATACATAGACCTGTTTAGAGACATATAGAAATACAATTTAGATTCAATTAGAAAGCGAGTACTGATC  
ATGTTACATGTAGCTTTCTTCCGTTTTACATTAATACTTTGAAAAAGAGCATTTGTAAATCAAAGGAAGGCAT  
TATATCTTTATAGGCATATCACATGAATCGAAAAGTGTGAGTAGAAAAAGTTGTATTTCTAGTTATGTATTA  
TTGAGTTCGATGTTTGTGTTTCTGTACTCGACATATTTTTCAGGAGAAAAACAACAAAGAAAAGATTAATGTTGT  
AGTTATGACTTCGAGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1968 NM\_001061439|Oryza sativa Japonica Group Os05g0208000 (Os05g0208000)  
mRNA, complete cds

AGCATCTTTTGGCAGTCCAGCAGATTTGGCACTTATCCGAATGCAAGCTGATGCTACCCCTCCAGTGGCACAAC  
GCCGAAACTACAAAAATGCATTCCATGCACTATATCGTATTGTTGGAGATGAGGGTGTTTTGGCTCTCTGGAA  
AGGTGCTGGGCCAACAGTAGTGAGAGCAATGGCATTGAATATGGGCATGCTTGCTTCTATGATCAAAGTGTT  
GAGTTTTTCAAGGATAACCTTGTTTTCACTGAAGCTACAACAGTTCTAAGTGCAAGTGCTGTTTCAGGATTCTT  
TGCTTCAGCTTGCAGTTTGCCATTTGATTATGTGAAGACACAGATCCAGAAAATGCAGCCTGATGCTGAAGGA  
AAGCTTCCTTACTCTGGCTCTATGGATTGTGCCATGAAGACCTTGAAATCTGGCGGGCCATTCAAATTTTACAC  
TGGCTTCCCTGTGTACTGCATTAGGATTGCACCACACGTCATGATGACATGGATTTTCTCAATCAAGTTCAAA  
AGTTGAGAAAGTCCATTGGACTTTGAGGTTTCGAGTGACAATCTTATGGAACAATTTTTTAACCTTCTTCAGAG  
GAGGCTATTGTTATGGTTCTTCTTCTTGACAGAAATCGCGCCCGTAAAAGTCAAAGACTTATTGCTATTACTATT  
GTTATTCTTTTGTACCACAAGATCGTCGTAGTAGAGTTGAGGGACTAAACTGTGTTTGTGAGTTTCGGGTTGC  
GATGGATTATAGGAGTGTTAGCATAAAAGTCCCATTGAAAATTTTGATTGATTTTAGTTTCAGGAATCAGTGG  
GGGAAACATTGATTTGATAAAAAATAAAGGCTTGGGGGCAACAAAAGAGATGATGCTGACATCAATTTTGT  
TAACTTGGTTGTCATACTTTTATGAGCTGAGGTTTTTCCACCACTTCTCATAAACCATCAAGTTTTTATGCATTG  
AATTTGATATTTTCTCTTAATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1969 BT006395|Arabidopsis thaliana At2g41000 gene, complete cds

ATGGCGGTTCCACGAGGTCCTTTTTGCCGCGAATCCAAATTTCTTCTCTGAAGCCAGTGTTTCGATTCCATTCC  
ATTCCATGGAAGCCCCTAGACTCCACCTTCTCGTGAAGAAGCAATCTCCATGCTTGTCAACTCCATTTCTCGAAC  
CATTCACTTCTGCCGCTCCAATTGATCGGAGAGAATCGTCGGCCATGGATGTTTCGTGATCACTACAAGGTTCT  
GGGCTTGACCAGAAGCGCCACCAAGGAAGAAATTAAGGACGCATTTAGGAAGCTGGCGAAGGAATTTACCC  
TGATAAGCATTCTCAATCACCTAAGGTCGTTAGGGACTCTGCTACTCTGAGATTCAAGCAGGTTTCGGAAGCTT  
ATGAGATCCTTGGCGATGATTGTAAGCGTGCTGATTATAATATTGTTCTCGTTGTGCTTCTGGCCCTTCTGTTA  
ATCAACAGTATTACTCGTCGTATAATTCTTATGCTCGTGCGAGTGACCTAGATATGGTTCTTCTTCTGGATTTG  
CCTCTCGCTCCCGTTTCAACGCCGATGGATTGGTTACGAATTTTCATATGCTGCTACGCTTCTCACACGCGTG  
CGTTTCTTCTCAATTTTGCTTTCGCTGGTGTGTTTAGCTGGTGGCATGTTGGCGATTGACTCGAGTGGGGAGGCC  
TTGTGGAAGATGCATAATTCTGGGAAATCATTTGAAGAAGCCATGGATTCAATCAACAAAGCCAAAACACATG  
AAGATGCTTAAAGAGCTTACATTTGGATTCAATTTGTCCGACCAAAAACCAGATTGTATTTTCATGTCTTCTTCC

TGTGGGGGTTGGCATTCCACACAAGTGAAAGTCAAAGTCAAACTGACTGGACACTATAAAAAAGAATTATAGAGCTGAT  
TGAAATGTAAATATGCTATCCTTTTCTTACATCTCTTTATGTGAATGTAGATTGATTGATATTATATAAAATTTT  
CTTAACTGTTTTCTTCATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1970 AY180382|Medicago truncatula apyrase-like protein (APY2) mRNA, complete cds

AATTTCAATTGTATCACTATTTACGTTTCATTTCTTCTTCTATTGTGTTGCCACTCTGAAACCTCAATTCCCAACTGT  
TTTAGACTTCCAAATCCAAAATCTCCATTGTTAAACACTTCCTTCAACCTTCAACCTTCAAACCCATTTCCATTTT  
CCCTTCTTCAATTCAAATTCCACTTTAATCGCCACTTCCAACCAACCCCATTTTCATCGTTCTCACTGACGGATTCC  
ACCCAGATCCGTCCTTCATGCTGTCTCCACCCCATCATTAGTCAATTCATTCCATAAATTTCCCGTCTTTCTTCCC  
AATAGAAGAGCTGGATCCGACTCCCGAACCACCGCAGTCCTCCTTGAAGGCTCCCCCTGCCTCCAATTCCACCG  
GAAACGGTCAGATCCGTTACCGATCTCCGTCTTCCGCTGAGCTTCTTGAAGGCCAATCCGCTTCTCTTCCACTTC  
AAGATCAACAGAAGCTACTTCAGTTGGAGTTTGACAAGATGCATAAGCGTTCCGGGAAGCCACAGTCCGAAT  
CTTTTTCGAATAAGATCTATAGATTGAGAGGGGTGTTATTGCTTATCTCTCTTTCTCTTTTCTTAATCGCATTGT  
TCTTTATCTCATGCCGGCCCGTGAGGATTACTCTTCAACCACCGCAAAGTTCCCTGATCATAGGTCGTCTTC  
TTCTTCCAAGACCTCTTTTGCTGTTATTTTTGATGCTGGTAGCTCTGGGAGTCGTGTCCATGTCTTTTGCTTTGAT  
CATAATCTCGATCTCTCCCCGTTGGAAAGGATATCGAATTTTGAACAACCTAAACCAGGACTGAGTGCATA  
TGCTGACAGCCCCAAGGATGCGGCAGCTTCTCTAATTTCCCTTTTGGACAAAGCTCAAGATGTTGTTCCAAAAG  
GGCTGCGGCCAATGACTCCTGTTAGAGTTGGGGCAACTGCTGGCTTGAGGGCCTTGAAAGGTGATGCATCTG  
ATAGATTTTTGCAGGCGGTTAGGGATCTCCTGAG

>trans\_c\_1971 NM\_001073346|Oryza sativa Japonica Group Os12g0498800 (Os12g0498800)  
mRNA, complete cds

AATTCGATTATTTTCTTTAATTTGGTTATTCTCACGAGCAACCATTGACAAGGGAACACCATTTATTCAACACAC  
CCAACAGTCGAATCATAAACAGATTGCTCTACTTCAAATCCGTTTCTTATTTGATTTTGTTCCTCTCTGGATTCT  
CTGAATTCTGTTCAACAATGGCGGGTTTAGCTATTGTTTTGGATCTATTACGGAAAAATTCGGCCACCAACACA  
CCCCAAAGCCTCCACTCTTATGGGGCTTTCTCCGCTGCCGCCGCCGCTGCCGGAACCCCTTTTGCCTTCAGAGC  
TTTCTTAGGTAATTACAGAATTCCAGTTGCTCATTGTGATGCCGGTGTTGATGTGACTGAGGACTACTTCTCAA  
ATCTACAGAGTGCATCAAGGAAAATCTTTGAGCATGAGTCTCTTCGATACACTACAAAGGAGTACAACCTTGA  
GTTAAAGCCATTATTCTCTGCTTTTCAATGGAGGATGCTTGGTATGACAACGTTAAGGTCGTTTTTGATGTTTTA  
TTTGCTCTTTTGGAGCCTCATGCCAAGTTGGAAGACGAAGACGATGAGGACTTTTTGAATGATAACCAAGAA  
GAGCAGAAAGTCGATCTAGTTTCTCCCTTAAAAAGTCCATCAAGCAAATAGTTCGTGAGACTACTGTTGTCAC  
AACGAGACGCATTTTAGAAAGAATTTCTGTCCACTATGCTTCGCAGCGAATTGCATGGAAGCTTCTTAAAGAT  
GTTCCCAAATCTGCCGTGCGCAAGGCTGGACGAGGACTGCCTACTTCAGTCTACTTCTCCGAGTTACCAGGA  
CAACTTTCAGAGGACATGCTCTAGGAGTTGCCGCTCATGGCTTGCCAAGTCGGTATTGAAATCTACAGATAC  
GTTTCTGCAAAAGTAAAACCGAAAGAAGACGATGGAGTTGACGAAACTGACAAAGTTATAATTTTAAGGAAG  
AAAGATGCAGGTGCTACTCTCCCGTGTAGTGCACCACTTGTTTTTGCT

>trans\_c\_1972 XM\_002874967|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata IQ-domain 17 (IQD17), mRNA

ACAGGTTGCTCGCCTCACCACCAGCACCAGGCCTTCCAATCACGCCAGAGACTACTACGCTGCAATTCTCATTC  
AGACTGCTTTTAGAGGATACCTGGCAAGGAGGGCTCTGCGTGCGCTCAAGGGGCTCGTAAAGTTGCAGGCTC  
TGGTGAGAGGTCAATGTCTAGGAAACAAGCTAAGATGACCCTCCGATGCATGCAAGCTCTGGTTCGAGTGC  
AGGCCCCGTGTGCTCGATCAGCGGATGCGACTCTCTCACGAGGGGTCTGGTAATTCCACACTCAGCGACCTAG  
TACCGCCCTCGGATCCCGTTACCTTCAATACTTGCTGACAGGAAGGAGTTTGCAACGAAACGTGATAGAAAT  
CTCTCCAACAGATATGGCGGAGAGGTGCAAGTCCGTCCATGGGCAGCGGAGATGATCTGGAAGAAAGACC

CAAGTGGTTGGATCAATGGAATTCAAGGCAGGCATGGGAAAGCAGGGGAAGAGCTTCAACAGATCAAAGAG  
ATCCAATCAAAACAGTGGAAATCGACACCTTCCAGCCTTACACTCGTACATCCTCCAACCTCCGAAGAATGGCC  
CAAAATCTACAAAGAACAAACCCGCATTCCGGCAGTTCCTCCACTTAACCGGATGCAACAAAACGTATACTCTTT  
CCACCAGTCAACCGCCACACCCTCCCATCTAAAACCAGGCCTATGCTGCAAGTCCGGTCTGCAAGCCCGCGTT  
TCGTTAGAGAAGACAAAAGCAACAATACATCCCAAACACCGAGCTTAAGGTCAAACATTACTACAGTGGGAA  
TTTGGTCCAACAAGGGAGGAGTGGGGCGAGTAGCAGTTATGGTGGTGAAGGCAATTGTTTGCCAATTACAT  
GGCGGCCACGGAGTCTGCAAAGGCACGATTGCGGTGCGAGAGCGCACCAAGGCAAAGGGGCATCAACGCCGG  
AGAGGGAGAGGGAGAAGGGAGGGAATTGGGTGTGCGAAGAAACGGCTGTCATTCCCAGTTGCGG

>trans\_c\_1973 AB457584|Prunus persica GPP mRNA for L-galactose-1-phosphate phosphatase,  
complete cds

ATTGGTCTCTTACTTTACTATGAACTCCTTCAATAAATAATAATTCCTACGCGCATCACTACATCGTTTGCATATT  
CATATTAGGCTAATGCTATGATCCAAAAACACACACCATTTTTTAACTCCCATTTCTAATTTCTCCACGATAAAA  
AACACAACAATGTCGGAAAATGATTCCCTCCAGGAATTCCTCGTCGCTGCTGTCGATGCCGCCAAGAAAGCCG  
GTCAGTTGATACGGGAGAAATTTTACCAGACCAAACATGTCGAACACAAAGGAGAGGTGGATTTGGTTACTG  
AAACTGACAAAGCTTGTGAAGATCTTGTGTTTAGTCATCTCAAGCAGTGTTTCCCATCGACAAGTTCATTGGA  
GAAGAACTAGTGCTGCTTATGGTACTATGGAGCTGACTGATGAGCCACATGGATTGTTGATCCCATTGATG  
GAACTACGAACTTCGTTACGGATATCCTTTTGTGTTGTGTCTCAATTGGTTTAACTATTGGCAAAGTTCGACA  
GTTGGTGTGTTAATCCAATCATTGATGAGCTTTTTACCGGTATTCGTGGACAAGGTGCTTATCTTAATGG  
GAAAGCCATTAAAGTATCCTCTCAAGATCAACTAATCAAATCTCTTCTGGCTAGTGAGACTGGAAGTTCACGTG  
AAAAATCGACAATCGATGATATTACTGGCAGAATTAATAGGCTTCTCTTAAAGGTAAGATCTCTTAGGATAAAT  
GGATCGTGTGCGTTAAGTCTCTGTGATGTTGCGTGTGGAAGAATCGATCTATTTTATATAAATTGCTATGGAG  
GTCCATGGGACGCGGCTGCTGATGCTGCAATCTTAACGGAAGCTGGAGGATTAGTCTATGACCCATCTGGTA  
GAGAATTTGAAATCACAGCTACGAGACTCGTGCTTCTAATCCACTTCTCAAAGAGGCATTTGTTGAAGCTTTG  
GCACATCCTTGATGAGAATATGCCTGCATTGACAAACATAGGTACCAAT

>trans\_c\_1974 X85216|P.vulgaris mRNA for pectinesterase

GGGAGAATAAATGAAAACGTGGGTTTATCTTTGACTTTGACTTTGCCTTTCCTTGCAAACCTGAAAGGGACG  
AACTTCCTTCTCTCTTCTTCTTCTTCTCTAAATTTGAACGAAAACCGATCAAACACAAAATCAATTTGAAACAT  
GGATCAAATCAATGCTCTCAAAGGCTATGGCAAACCTCACTACCCACAACCTCGACCTCGAACATCAAATCCCC  
CGCCGCCCTCCAAACCAAACCTCAAATTCCTCAACAACCACAATTATTCTCTCCCACTCCGCTTCGCCGCCGCCA  
TCTCCGCCCTCCTCCTCACCAGCTCTAATCATCAGTCTGATCGTCGGAGTCTACCCACAACCTCCACCCCCGACA  
ACAAATCATCATCAATAATGCTGCCACACAATCAGCATCATCTGCAACGTAACCTCGTTACCCTAATTCCTGCT  
TCACCTCAATCTCTCTCTCAATTCCTCTCTCAACCCGATCCCGAACTCATTTTAAACCTCTCTCTCAAGTTTCC  
CTCAACGAACTCTCTAACATATCCCGATGGGTAAAAACCCTAGGGGCAGAGGGCGACGGGGGAGCAGCAGC  
AGCTTTGAAGGACTGCCAGAGCCAAATCGAAGACGCAATTAGCCAAGTCAATGAGTCGGTGGCAGAAATGAG  
AGGCGGTTCCGGGGAGATGACGTTGACGGAGAGTAAGATCGGGAACATTCAGACGTGGATGAGCAGTGCGA  
TGACGAATGAAGAAAGCTGTTTGGATGGAGTGGAGGAGATGGATTGACGTCGTTTGAAGAGGTGAAGAGG  
AGGATGAAAAAGTCCATAGAAATACGTAAGCAACAGCTCGGCCATTGTGGCTAACATCCACGTCAATCTTGACA  
AATTTAATATGCCACTTCACTAAATTTCTTTTTAAATGTAATCATCATCATCATCGTCACATCATCATCATCATC  
AACATCATGTTCAAAACAAATACCTCTGTTTTGTTGTTTTTTTTT

>trans\_c\_1975 NM\_120556|Arabidopsis thaliana ACT domain-containing protein (AT5G04740)  
mRNA, complete cds

ATAGAAAGAACTCCGTTCTAACATACATAACCCCGTCTTCATCTCCACTATTACTTAAATCGAACAAAGTTGCT  
GACGGAGACAGCGCCACCCATTCCGATCAATCAATCTTCTTCTCCATGGCTATGCCGACCTCGAGCTCCACC  
TTCATCGCTTCTTCTTACACTTCTCCTTCCCCGTTTCCATGCCGGTCTAGGTTTCTGGAGCCGGAGTTCGCTGCTC  
ATCTCCCTCACCGCTGCTTTGGCGGTGGTGCTAGGCTTACTTTCTTGCGGAAATGGAACATCCTTAGTGCATCA  
ACCAATGGTTTGAATGCAGTCAGTCCAGCATCATTGATGTTTGATCAAGATAACGTGCCAATGCCCATAGTTCT  
CATAGATCAAGATTCAGACTCCAATGCAACAATAGTGGAAGTCAGTTTTGGCGATCGTCTTGGTGCTCTTATTG  
ATACGATGAGAGCATTAAAAGATTTGGGTTTGGATGTGGCGAAAGGAACTGTTAGCACAGAGGGACCCGTCA  
AGCAAAACAAATTCTATCTGACAAGATTAGACTCAGGCCGCAAAGTAGAAGATCCTGATTTGTTGGAGAGTAT  
TCGTTTAACCATCATCAACAACCTTTTGAAGTATCACCCAGAATCTAGTCAACAGCTTGCAATGGGTGAGGCTT  
TTGGAATTCAGCCTCCAGAGAAGAAGCTTGACGTTGATATTGCAACTCATGTTACGTGAAAGCTGATGGACC  
TAAAAGGAGCCTACTTTGTTTAGAGACAGCAGACCGCCCTGGATTGCTGCTTGAAGTTATAAAAATACTTGCG  
GATATCAATATCGATGTTGAATCAGCAGAGATAGATACAGAAGGGTTGGTCGCCAAGGACAAGTTTCATGTC  
AGTTTATGGGGGAGCGGCACTGAATAGTTCCTTATCTCAGGTTTGTGGTAAATTGTCTACGTTACTACCTGCG  
GAGGCCGGAGACAGACATAGATAGTTACTAAGATCTCAAAGGACCACATG

>trans\_c\_1976 HM466976|Nicotiana tabacum MYC2c transcription factor mRNA, complete cds

AGCTTCACTCCTTGGTGATGCTATCTCTTACATCAATGAACCTTAGAGGGAAGCTTCAAACCTGCTGAATCAGATA  
AGGAAGATCTACAGAAGCAATTGGATTCAGTGAAGAAGATGATGATGTCCTCTTCTAGTAAAGATTCATGCGT  
GTCAAGCTCGAATCAACCCCAACAGATCAAGACATAAAATCATCAAAACATAAACATAATGATATCGAACT  
GATATCGACGTAAAGATCATCAGTTGGGATGCAATGATCCGAATCCAATCTAGTAAGAAAAACCATCCTGCTG  
CACGGTCGATGGCAGCTCTGGAGGAACTCGACTTGGATATAAACCACGCGAGCATCTCGGTTGTCAATGATCT  
CATGATCCAACAAGCAACCGTGAAGATGGGGAGTCGGTTATACACTCAAGAGCAGTTAAGGATAGCATTATC  
GTCGAAAATAGGCGCAACTCGGTAGCCATTGTTATCTCCTTCACTATGATTTATTGTCTGAAGTAGCAGCATAG  
CATTGGTTTTAGAAGAGCTCCAGTTGCCGATGCGTAGGGAGCCTAAGAAGGAATATGTGCCATATGCAAACG  
GCATATAGCTGTGTAATACTGTTCTTCTCTACTTGTTCTTTAGATAGTGGTGTTTTAGTATTTAAGTGATTCT  
TGAGATGATTCACATGGAGGAGTTTGAAAGTTAGCAATGGCCATGGGAGAAGAAAGAAAGAGTAGTGATG  
GTGATGGTGATGGTGATGATGGCTTGGCTCCAATTCACGTGAATAGTTAAAGAAGAACTTTCTTATTACTG  
TATATATACAAAGCCATAAATGTGATCCTACTGCATTTGGTCAGTGAAAATATTTCTATCATATGTTTGTAGCA  
GTGTATGTTGTTCCCAATGTAAACTCTATCCAGAAATTTCTCAGGCTGGATTGAAGAACATAAGTGATTCAAA  
TAGAAGAAACCTCCTGCTTAGTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1977 NM\_130248|Arabidopsis thaliana PSI-P (PHOTOSYSTEM I P SUBUNIT); DNA binding (PSI-P) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGCAATTACATAAGAAATATAACAAAAAAGGTGGGGTAAAGGAAGTA  
CTTACAATTTTTCATGCAAATATACTTGCAATGCAATGCAAAACAGCAATTAATTATAAAGATCATTATTTATTA  
TTATTTTTTTTTATTTTTTTTTTGGCTTGAAATTAATAAAAAAAAAAAGAACAGCAATTTAGACTCTTAATTACA  
ATTATTAGCCATAGAGAATAATTAATCCCCCTTTGAACACACATCAATATTAATCTTCTTTAGCTGCTCCCT  
ATTATCTCACTGTAGGTTTCCTTAGTTTCTGCAACAATGCTTCCCTATCTGGTCTGAAAATCAGATTCTTGAT  
GCAAACCAACCGGTGTAGCCAATTCCCACAAGCTCAAGCAGGCCAGGAAGTAGAGGAAGCCTATCAATCGCG  
GAGACGACGCCAGCGGAGGCCCAAAGGGCGACGAAACCGGAGACAGCAAGTGAGCTCACAGCATACTTATC  
TTCAACCTTATCCCAAGCTTCTTGAACTTTTTTGATAATTTAGGCATCTCCGCCAGCTCCCCGCCGCACTTCA  
GCTGGGACTTCTCCGTTGCCATCGCCATCACATTGCGAGCAATCTTCCGACAATAGGCAGTGGACTTCCAAG  
GGCGGATCTGAGCCGATGGAGTAGGCGGCGACGGGAGAGTGGGGAGCGGCACGGTCGATGACGGCGAACC  
GGATTGTCGAGGGGCCTTAGAATCGAGGAGGGTGGAGGCCGAGGAAGAGAGAGCAATGTGGAGGAGGA

AGAAGAAGCCATTGATTGCCGTCTCAGCTCAAATATTCACAAGCAGCTAATTAAAGATAGTTTCTCCAGGA  
AAGGAAAGAAAGTGAAGATTTTGTGTTGGGTTTTTCTTTGTTTGTAGACAGGTGTTTGTGTGTTTGTGTT  
TTCTTTCTTTCTTCCCCTTTTTGGAGATGTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTGGTT

>trans\_c\_1978 NM\_124714|Arabidopsis thaliana CLPX; ATP binding / ATPase/ nucleoside-  
triphosphatase/ nucleotide binding / protein binding (CLPX) mRNA, complete cds

AGGCTGCCAAAACCTTTTTCCCGGTGAAAATATCCACATTGACACCAAAGATATTCTTTTCATTGCGGGGGT  
GCCTTCATTGACTTGGAACCAATCACACAAAGGCGGGAAGATTCTTCTTAGGGTTTGGGGCCCCGGCTC  
GTGCAACATGAGGGCTGGCGGCGTTACAGACGCCATGGTTACCTCTTCTGTTGGAGACCGTTGAAAGTA  
GTGATCTCATTGCATATGGGTTGATACCCGAGTTTGTGGCCGATTCCCAATCCTGTCAGTTTGTGAGCCCTA  
ACAGAAAACCAACTGTTGAGGTCTTGACAGAGCCAAAAATGCATTAGGAAAGCAGTATAGGAAGATGTTT  
CAATGAATGATGTCAAGCTTCACTTCACAGAAAATGCCCTGAGATTAATAGCAAGAAAGGCAATGTCAAAGA  
ACACTGGAGCACGGGGTTTGCATCAATATTGGAGAATCTATTGATGGATTCTATGTATGAGATTCTGATAT  
TAGAACAGGTAAAGATATAATTGATGCTGTCGTTGTTGACGAAGAATCAGTTGGGTGAGACAGCCCCGGTTT  
GGCGCCAAAATTCTTACGAAAGGGTGCATTGGATCGCTATCTTTCAGGACAAAAGGCAACAAGTCAGGAT  
TCAGAAAGAGAGCCGAACTGAAGGCGAAACAGATCTTCTTCTGTTGTTGCCAGCGGCATGTAACCAAGA  
ATTTGTGGAAGTTTATGTGTTATACCTGTAATGTTGTACATATTACTAGTCTATATTTATTAATAATTCAAGTGG  
AAAATTATTGTTATAAAGATTAAGTGTCTTCTTAAAAAAAAGTGTCTTTCGTTTTCAAAGTCTCCAATACA  
TTGAAAGCCCACATCTTTATTAGGCTTATAGGCAACAATGTATTTGTTTATGAATTATCTCCAACAGTTGTTT  
TAATTCTTCTGGATTTTTTATGCGAAAAAAGGCAACAAGTCAGGAT

>trans\_c\_1979 AY106753|Zea mays PCO083390 mRNA sequence

ACAGTCGCAATTCAAACCGTGGACCAATCTCCTTCAGCTCAATTGATTTGGCACCTCCATGCTTCTCATAAATAT  
GATGCCTGAATGAAATATAGTCAGACTGATTAGCAAAAGTAACCACACGTTTGGTATCTGGCTTCGGCACAGG  
AAATAGATGCTTTAAGATATTGGCCGTCTTTACCCAACTTCGTGGTAAAATGTTTCAAATTATGTGCGGAT  
AGGCCTCAGGCATCGTTCCCATAGCCTTTTGTCCCTAATTTTATGTCTTGTAAACCACATTGAGCAATCCAAAT  
AGGCAGTTGGACCAATGGAAGATGGCTGATAATTAACCATCTGGCACACCACGATGTTTCACTAAAT  
AACATCTGTAAATTCATGAGCACGGCAGGTCTCTATGATCTCTGAGATCACCTGACCACCACGATTCATTCTTT  
GTGCATTGGGGAAAACAATTTTGTCTTCTTGTCAAAGGTGCATTGGATCCCGAGATGTAGT  
TATCAAAATTTTAGGATCAACTTCTGAAGCATTGTCATACTCATCAATGTGTGTCCTTGGGACTGCTGTGA  
GTTTATCTCAAGTTCAATTTCTTACGAAGTGTGCTCCTCGTTTCGGAGTTCAGTAGGAAAAGGTTTTCCCT  
CTTCTAAGGCTTCTCTAATCTTCCGCTTTTCTCATATAGCAAAACGCTCCTTGCTTCTAACTCTTCTGTACAA  
ATACTCCCTCCTCAGCCGAATGTTTCTTGCACATTGCTTTGAATTATTAGCCAAACCCCACTGAGAGTCTGA  
ACAACGGCGCGGGTACTGAGAAAAAGAGAACAAAGATGAGTGGTTGTGATTGCTGGAGGAAGCGAGAGA  
GTATGAGAGATAGTGACGGCGGAAGGCTGAGACAGTGGCAGCTGAGAACACAGCGTGCGGTAGCGGAGCA  
GTGCTCAAGTGGCTGCTGGGGTATAGGGTTTAGGGAAGAAGAAGGGCTTA

>trans\_c\_1980 AF185271|Lupinus luteus NADH ubiquinone oxidoreductase PSST subunit (PSST)  
mRNA, complete cds

TTCAATTCGGTTTGTATCGGAAGTTCTGAATCTTGATCCGTGGCAATGGCCGCCGTGAGCCGAGCTTCCACTCG  
AATCCCTCATCTGCTTGCTGCACGGGGAGCTTTGTGTCTTCATAACAACCTCCGGCTTTGTCTTCTCATCCAC  
TGCTTCTCCGACGCCGTATGCGAGGCCGCTGCCTCCTCGGCCTCGTCCCCGACGGGGCTTCCGAAGGCGGCT  
GAGTATGTATCTCGAAGGTTGACGACCTCATGAAGTGGGCTCGCCGTGGTTCTATCTGGCCTATGACGTTG  
GCCTTGCTTGTTGCGCTGTTGAAATGATGCACACCGGTGCTGCCCCTATGACCTCGATCGCTTGGTGTGATC

TTCCGTCCTAGCCCTAGGCAATCTGATTGTATGATTGTCGCCGGTACCCTCACCAACAAGATGGCCCCAGCTCT  
TCGCAAGGTTTATGATCAAATGCCCCAACC GCGATGGGTTATATCCATGGGAAGCTGCGCAAATGGTGGTGG  
ATACTATCACTACTCATACTCAGTCGTTCCGGGATGTGATCGGATTGTCCCTGTGCATATCTACGTTCTGGTT  
GCCCTCCTACTGCTGAGGCATTACTTTACGGAATCCTTCAATTGCAGAAGAAGATCAACAGACGCAAAGATTT  
CCTCCAGTGGTGGACCAAGTGAGACCATCCATCCAAGTCAGGTATTGCTCGTTGGTGGATGCTTCAAATA  
ATAAGAACTGTATTACAAGTTTGTGGTAATGTAATAGAAGAGATTATGAGTGATGTTTCAATAAGACCCCA  
ACTGATCCTCCTTGATGATGTTTTTCCCCGTTTTCTGTTTATCTCCCCCATGTTATATGGTGCCTTTGGATGGCA  
AAGAATTATATGTATCTCTTCAAATTTGGAGTTCACTAAACACTTCCTGAATTTTCAACTTAAATTGATGTCCTC  
TGATTTATTAATGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1981 NM\_001057307 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0647400 (Os03g0647400)  
mRNA, complete cds

CTACTAAATCATGGTCAAGCCTCACGCTTTGACCTTTTTAGCTTCAACAACAAGGAAGAGAAAGGAAAAGGAA  
ACCCCTTGTTGAGCTTGATTCATTCTGAGGGTTTTGGGGGTTTAAGCCGCCGGCGGTGGAACGACGAACCA  
TTCCTCCACAGCTTACCTAATGACATCGACACTGTCATCTTGAATCCGATTGCTCCTCCGGCACCGACTAGGAT  
GTCTACTTCGGAGTCGAAACTCCAAGACGCGAATCTAACGCCGCCGAGTAAACCTGGAAGATCAACCA  
CAATCGGATTCCGCAAGTCACTCTGATGAAAAATCTCCGAGGAAGCAAGTCTATCAGGAAAGATTTCCGAGA  
GTGGAGGTGGAGACGAAGGAGGAGAAGACATAGAAGAGGAAGAGGAAGAGGAAGGGAATGT  
GGGTTTTGCTTGTATGAAAGGCGGTGGTTGCAGAGACAGCTTCATTGCGTGGGAAAAGTGTATTGAGGAG  
GCGGAGAAGAACAAGGAGGATATTGTGGAGAAATGCTTTGAAGTGACAGGGGCATTGAAGAAGTGTATGGA  
AGCTCATCCAGATTATTACGAACCGATTCTGAAGGCGGAGAAAATGGCTGAGGAAGAAGCGATTATAGAATT  
GGAGAAGGAAATAGCTCCAAGTGCTTCCAGGAAGATACGAATTCCGATGAACAGAAGGCCTCTGCGGGAG  
GTAAGTGAAGTTAGTTGCTGCTCGTTGGATCTGATTCTTGAAGCGGAAAAACATCATTTTGTGAGAGTACTTT  
AGTTTCTAGTCCATCTTTAACAGGCTGTGGAAGATATCTTCCTTAACTCTTTGTCTTAGTGCACCTAAACCTG  
ATTCTTTATCTGAAAGTATCATAGGAAAGAAGAGATCTTACCTTACACCACTTCTGATTTAATTCAAATTTCTG  
AATAATTATTCATGCCATTGTTGTTTAGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1982 AB061251 | *Solanum tuberosum* mRNA for NAD(P)H:quinone oxidoreductase,  
complete cds

ATTGGTTACCCTGTATTTGCATTCTAATAAAAGAAATATTGGAATATATACACACATAAAAGAAAAAATGAGTG  
CACAGTGACCACATGTTGTAGGAACCAACAATCCAATAGTAATGAGAATCTAACTCATCCCTCAACCTTCATC  
ATAAATCACACTTACTTTGTCTCTCATTAATTTCTCCACCATTATTCTCCATTCATCGTCTCTTCATAAACCTAAT  
CCCAATCCATCCCATGGCCTCATTATCCACGGTGGTCGGATCTCAACCCGCAATCAAAGTCATCGCTCTCTGT  
GGTTCTCTTCGCCAAAATTCTTCCAACCGAGGCCTCATTCTGTCGCGCAACGGAGATAGCGAAGGAATCCATCG  
AGGGATTGCAAATTGAATATTTGGATATTTCCCCATTGCCGATGCTGAATACCGATTTGGAGGTTGATGGGAC  
ATATCCGCCCCGTCGTTGAGGCGTTTCGCCGGAAGATTCTTGAAGCTGATAGCGTTCTTTGCATCGCCGGAG  
TATACTACTCTGTACCGCACCATTGAAGAATGCAATAGACTGGGGATCAAGGCCACCAATGTATGGGGA  
GACAAAGCAGCAGCAATAGTTAGTGCAAGTGGTGGCTCTGGTGGTGTAAAGATCACAGTACCATCTTCGCCAA  
ATTGGAGTTTTTTCTTGACCTTCATTCATAAACAAGCCGAGTTTTCTTGAATGCACATCAGCCACCACCCAAG  
TTCGACAGCAGCGGTGACCTGATCGATGCCGAAGTTCGAGCAAAGTTGAAATCTCTTCTTAGCATTGCATG  
CATTTTCTTGAGACTTAAAAGGAACTAACCTTTGTAATCGATGAACGTTGGAATAAATGGCACATAACCA  
TTCATGTGGAGTTGCATCGTTTTACAAATGAACATGTCATTTAAAAACAACCTACTTGAATAAGAGACGTGAT  
TGTTGCAATAGTTACAAATAGTCTATAAATACTTAACTAATACTTC

>trans\_c\_1983 AF197567|Nicotiana tabacum pollen specific LIM domain protein 1a mRNA,  
complete cds

AACAACACATAAAAAGGGCAAAGGAAAGATCTTCTGTTTCTTCTTCCCTTCTCTTATTCTCAGTTTGATAGTTC  
AGTTCAGCTCTGTTTGTGTTTCTGTTCATAATATTTCTTCTTTGAATCCTTCAAATTTTATGAAGATGGCTTTCTT  
AGGGACAACCCAAAAGTGCAAAGCTTGTGACAAGACTGTTTATTTGGTTGATCAGCTTACTGCTGATAACAAA  
GTTTATCATAAGGCTTGTTTCAGATGCCACCATTGCAAGAGCACTCTAAAGTTGTTCAATTACTCCTCCTTTGAG  
GGTGTATTGTATTGCAAACCTCACTTTGATCAGTTGTTCAAGATGACTGGAAGCTTAGAAAAAAGTTTTGAAG  
GTACTCCAAGAACTGTTAGAACAGACAGATCTACCAATCAGGTCCAAACCAACAGCAAATTGTCAAGTTTATTT  
GCTGGAACCTCAAGATAAATGTGTTACTTGCAAGAAAAGTGTATCCAATTGAGAAGGTGGCAGTTGACAGTA  
AATCATACCACAGAGCTTGCTTCAGGTGCTCACATGGAGGATGTGTGATTAGCCCATCGAACTACATAGCGCA  
TGAACATCGACTCTACTGCAGGCATCATCACAACCAACTCTTCAAACAGAAGGGGAATTCAGCCAACTTGAC  
AAGCATGAAGAGATTAAAGTAAGTGACTAAGAACACACCAGTTGAGAACAACCTCTGTGCGATTGCAACTGTT  
ATATCGTGACGAGGAGCTGATAAAGTTACAATTTTCTTCACTACTTACGGATTTGGTTTGCTATTCTATGAAG  
TGTAATAACAGCAATTTGAGCTTCCATAAATTTTTGAGTGTGAGCTTAAACCTTATATAAGAACTAGCAG  
AAAGAGATGTATTGTTATTCTAATCAATTGATCAGACCATAAGCTGTTTTTCATCATTTTCTTAATGAGTTGTTT  
CTTCTCTTTTGCCAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1984 NM\_001073584|Oryza sativa Japonica Group Os12g0566300 (Os12g0566300)  
mRNA, complete cds

ACCTACTCACCTAACCAGTTGTTGAAACTCTCCTCCACACCCTTATTCTTCATATCTCTCTCTATTTAATCTTCC  
CATCTATTCTCCCTATTTCTCACACTCGTTGAGTTTCTTTTCTCAATCGGAAGAACGTCAGCAAGTTTGTAAATG  
GCTAGGAAGAAGATCAGAGAGTATGACTCTAAGAGGCTTCTCAAGGAGCATCTCAAACGCCTCGCTAATATC  
GACCTCCAGATCTGCTCTGCTCAGATAAATCAATCAACTGACTTCGCTGAGCTGACAAACAACGAACCATGGC  
TGTCATCCACCAGGTTGGTAGTGAAACCAGACATGTTATTTGGGAAACGTGGAAAGAGTGGCTTGGTAGCTTT  
GAATTTGGATCTAGCTCAAGTTGCTGAGTTCGTGAAGCAACGCCTTGGAGTGCAGGTTGAGATGGGTGGTTG  
CAAGGCTCCAATTACAACGTTCAATTGTGGAGCCATTTGTTCCCATGATCAAGAATACTACCTATCTATTGTCTC  
TGAAAGGCTTGGCTGCACAATAAGTTTTTCGGAGTGTGGGGGTATCGAAATTGAAGAGAACTGGGATAAAGT  
CAAGACGATTTTCTTCCAACCTGAAAAAAGTTTTACACTTGAAGCATGTGCTCCGTTAATAGCTACACTTCTCT  
GGAGATTTGAGGAAAGATTGGTGACTTCATAATGGGTGTATTCAATGTATTTCAGATCTGGACTTCAGTTTC  
CTGGAGATGAATCCATTCACCCTGGTGAACGGGGAGCCATATCCACTGGATATGATAGGGGAATTGGATGAC  
ACTGCTGCCTTCAAAAATTTAAGAAATGGGGAAACATTGAATTTCTTTGCCCTTGGTTCGAGTGCTAAACCC  
TACAGAAAGTTTGTCTACTCTTAGATGAAAAGACAAGTGCATCCTTGAAATTCAGTGTGTTTGAACCAAAG  
GGCGCATATGGACAATGGTGGCAGGAGGGGGTGCTAGCTTTATATATGC

>trans\_c\_1985 XM\_002878798|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata octicosapeptide/Phox/Bem1p  
domain-containing protein, mRNA

TGGCGTTCACGACAAGTTGTTGGAATCTTACTCATTACAAAAGTACAAACGGATTCTACGGTTGATTTTCAAT  
TTCATTTTCTCCTTTGCTAAATTTATATCCCTCTTCTTCCACAACCAAATTTCTTCCCTTCTTTCTCACCCTGAGA  
TTCTCCGGATTAATTTCACTGCTTCATACATTTCTCAGATAAGTTTTCTTCCCACATTTCTCCACCACTATAATC  
CCCTGCTTTCTTTCTTCTGCTTTTGTCTGTTTTATGTTTCATAATTGGCCCTACTTTATTCTGCATTTCAAT  
ACACCCGAGTTTGTGTTTCTCGGTACTTTTTAGGGAGTTTTACTTACGAATTTGTATCTATAGCAATTGTTTGT  
GCGAGGGTTTGATTCTCCTTCTTCTGACTAGTCAAGTTTCGTTGGTTTGGATTGTTTGAAGTTGTGTAGTTG  
TAGAAATTAGGTATTTTCTTGGTTCTTGGTTTTTCAATTGATTGATTTTGGATGGGAAACAACTGGAAAG  
AAGAAAAAGCTGATTGGTGATAAATTCGTGAGGCGATTCGAAACATCGCCAAATGGAGATGGAAGTTGT

CCAAGTTATGACAAGGACCATGTTATTTTCATTACTATGTCCCAGGTTTTAAAGGATGAGGGGAATAAGTTGTT  
CCAGTCTAGAGATCTTGAGGGAGCAATGTTGAAGTATGATAAGGCCCTCAAATTGCTTCCAAGGAATCATATA  
GATGTATCGTATCTTCGGAGTAACATGGCAGCATGCTATATGCAGATGGGGCTTAGTGAGTATCCACGAGCG  
ATCCACGAGTGCAATTTGGCTCTTGAAGTTACGCCCAAGTATAGTAAGGCATTGTTGAAGCGGGCCAGATGTT  
ATGAGGGTTTGCATAGGTTGGACTTGGCTTTGAGAGATGTTAAGGCAGTTTTAAACATGGGAGCGAATAATA  
TAATGGCTTTAGAATATCAGAGAGATTAACCAGGCATTG

>trans\_c\_1986 AY052286|Arabidopsis thaliana AT3g06780/F3E22\_8 mRNA, complete cds

AGTGACTCGCCCGCCAACTCGTTTTCTCATTGATTTTTCTTCGATTCCCCCAAATTTGTTAAATCCCTGGTTCTC  
TTCTACTACGAAATCCCAATTCTAAATCCTTCCATTCCAATGGATTCTCTCTGGTTGCCGGAACCCCTTCAATG  
GTTGCCAACAATAGCATCGGCTTCGCAAACTCCTCAATCGCTCGATTTCGTCTCCAATTACTGTATCTCCGCC  
ACCGATTCAATCACCGACCAGATCCCATCGTCTTCCACCGCCGCAAGTCTTCGATTATCTGCCGCACTTTTCCCC  
GTCGCAACCAATTGCTCCGCCCCCTGTTAAATCGGTTTCCAACCGATCGGCCTCTCGGACATTTCTCCGTAGAAA  
GCGTCGCACGAAACGTAGATTGTATAGTGATGATTCCGAGGGACGCGAGGACGATGGATTCCGGCGGCGGCG  
ATTTTGATGGACCGTATGGTGGAGATGGGGGTGGCGGCGGCGGTGGTAGAGGTTGGAATTTGATAGATTT  
GGAGGAAATGATTGGGATGAATCGTCGTTTTCTTCTCTTCAAATCCAGCGTATTATTTGTTTACGAGGT  
GGTTTGTTGGATTGCGTTATCAAATTGTGTTCAATTTGCGTTCAAGAAGGTTGTTAGATTTGCAGCAGAAGCAT  
TTGGGAATTCGAAAGGGGAAAATTGTCCATGAGATTAATCTCCGTTTGTTGATCAGTACAAATTCTCTTTCTC  
AATGATTATCTTTTAGAATGGAAATCTGGGTATAAATCTCTGTATTCAATTTCAAAAAATTGGTCTGTATATAT  
TTTGTAATAATTCACATTGTTTTATAAATTGGTTGGGGATTACATATTGAAATCTGTGCCTTATCAATCTGATA  
ATGTCATTNCCTTTGTAGTTAATTCTCTGTGGCTGATGTTGATGTCTAGCATTCTTATAATGGATAAAAAAAGTG  
GGTGTTTGTCTACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1987 AB117754|Oryza sativa Indica Group DNA, indica specific region near the Rf-1 locus

TCACAATCTGATCCTTACATCTCACCACGTAACGATATCGGTCCACCTTTTTATTTAGAAAAAGGGCAGTGA  
TAAAGTTTGTGATGTGAACGTTATTCCTGAAGACTTCGAAATGGCTGAAAAGCACTTCTTCTGTTGGTTCAC  
ATCAACAAGAGGATCACCATTACCACTTCCAGCCAAAGATGAGGACCAATATCATGATGCAGTACCAACCT  
AGAGCTTGCCTTGGGGGCAGAGACTAAATTACAAAAGAAGAGTATGATCCCTTTCCTTGTGGATTTAGTGGAT  
GACAAACATAACCACAGTGAGTCCTCAGAAAAGGTGATTGATCTTGAAGAAGAAGATGACTCTACATCCCTAA  
CATTGTCTTTATCACTCCATTCCCAGAGAAGCAACAATCCCCAAAACTGTTTCGAAAACAAAACAGCTTCTAC  
CCGATAGGTGGTATGTGAAATGTGAATACCTCACTGTTTTCTTTGAGGGTTTGTGAGAGGACTTAGGCAGC  
ACGATGTTGTTACTCATCTTTATCATGTGCAATTTGCATTCGACAGAAATGTATACCAGGTTATGTTAGTTGATC  
ATCTTTCAAAGGGCTCTATTATGCGAGAACCCGCTTCCCATCTGTTGATATCCCTCTCAAAGTATATACCAGT  
AATTATTTACCTCTTTTTTCCACCTTTTTTCTGTTATGCTTTTTAGTTATTCCTATTGAGCACTTTTGACTTT  
TTAAGATCAGAATTACGGCCGTTTGTATATATAAGTAGAATGCAAAACAGAAATAATATTGCTTGCTAACAG  
TCAGGTTTTACAAATTAATATGTTCTTAAACACTACTCTGTCTCTCACTCTGCTGCCCTCTATAGTTGATATGT  
TGAATATCAAATTTGAGAAGTATCATGGTTTTTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAACCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1988 NM\_114371|Arabidopsis thaliana 50S ribosomal protein-related (AT3G45020)  
mRNA, complete cds

CTAATTTCACTGCCTTTGATCTGCACCACTGTCTCTCTGGAGCTTACCCACCACCCTGTCTCGACGACATTGA  
AGCTTCTTCGGCCATTATCGCCGGAATCCACCAATATCCTCACGGCTCACTGTAACCCACCACGCTCCCTGCTT  
CAGCGTTTCGCTCTCATTTCTGGGTTGCATTCATTCACCCTCCCTCAGCGCCTAATTCTCATCTCTCAACGGCTTT



TGATAAAATCACTGCTGGAATGACAGTATTAAGCGCTATGTGTTGCGATTATTCATATCTTTGAAGTACATA  
ACAGCGAATGTGGTAGATAGAAATAATGGACGAGTTGTCGCAACTGCATCCACGGTGGAACACTCCATCAAA  
AACTCACTTGAATGTGGTCGGTCTTGTAAACGCGAAGGCAGCAGCAATTGTTGGAGAGGTGTTGGCTATGCGA  
CTCAAAGTTGACGGTCTCGAACAGGGGCAAGGAAGAGGGATTACGCGGACATAAACAAAGAAATTGAGAA  
GAAAGGCTTCACAAACCGCACAAAAATCTGGGCTATAGTGAATTCATAAAGAATAACGGAGTTAACTCATT  
CTCAACAACAATGTCGACGACGATGCAGCTCAATCGAACTACCAATAACCATCAAAAAGCGATCTTATTGTTCA  
TCCCTAAGAAAAAAGGGGTGGAGCTAGAGCTCGACCATCATGAAAGACTAGATGCTGCTAAAATGGAAGGT  
ACTATCTTTGTTAGTCATAATCAAATTAACATCATCACTCATGATATTTGGAAGTTTATAAAGTAGAGGCAGC  
TTTTATCTCCGCTTAGAAAATGGTGGCATATTGACATAGTGATACCACAGCACATTTGGGCTAATGATAATGT  
TATTACAGTAAAATGGCCTTACATGATCATCAAACCTCTACACAACTTTCTCTCTTTCTCTCTGTTTTACCTGG  
ATTTTTTTCTCCTTCTACTGGCTTAAGAGTTGTATAGAGATTAGCTTT

>trans\_c\_1989 NM\_001055048|Oryza sativa Japonica Group Os02g0816500 (Os02g0816500)  
mRNA, complete cds

AGGTCTTTTCATTTTCGACTTCTTCTTCTTCACTCGAAAAACACCTCCCACGCTCTCTCTGCGCGCCGCTCAGCT  
TGCCGGACCTCCCTCCCACTCTAGCGGTCACTCTCTCGCCGGACGTCGAGTCCCAGCTGTGCACGCCGTCGAC  
CCTCCGCGTAGGAACTCCCGCCAGCCGCGCTTCTCCGTCTATACCGCCACACCCAATCACTGGTTTTTCCGG  
TTCGTCTGCGGCTATTCTTCGCGCCGCGGGACTTATCGTCGCCATTCTTACCGGATCTTGGCTTTGGGGTCAG  
TATGGCTACTGTAAAGAACCTTAAGATTAAGACAGCGACCTGCAAACGCATTCTCAAGGAGTTGTTTTCTTATG  
AGAAGGAGGTGGAGAGAGAAGCTTCCAAAACAGCTGACATGAAAGAAAAAGGTGCTGACCTTATGACCTT  
AAACAACAGGAAAATGTGCTGGCTGAATCAAGGATGATGGTTCCCGATTGTCACAAGCGTCTAGAGGTGCGC  
TTAGCTGATCTGAAAGAAGCCCTGGCTGACCTGGAAAAATCAACAGAAGAGAAAGGTCCCGAGTTCGATGAT  
GCTCGGAGTACAATCAACGATATTGAAAGTTTTCTAAAGCCAACAGAGGAATAATTGTGAGTTTGTCAACGCC  
TGATTGTTTTCAGAAGTTATAATTCAAACCTATTGCATTACTGTATTAGTTCTCAAATGTTTGGTTTTTGGATGTT  
ATGATTATACTTTGAAAAGAGTTTCTTCTTCTGTTCTTCATTACTATCACCAAAGTGTAAGACTAAACTCTTCTCC  
TGGATGTTGTGTTTTAAATATTTTGATGGCGTTTACCCAAATTTAAAGGAATAGATTTCTAAATATATGCCAA  
CAGCAATCGAATACATTTGCTTGTGAATGAGTTCTACGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1990 AF197330|Eucalyptus grandis calcineurin-like protein (EgCBL1) mRNA, complete cds

ATTCTTTCGGATAAAAAAATACAATTTTTTACCATCCCACATAAATTTATCACATTTTCACCCTCAAGTTCCTTCT  
CATATCGAAAATAGCATCAAGATTAACGATGTTCTTGATGCTCAATTGGACAGAATCGAAGGGGATAATCTTC  
GTCGCCATCGATCACAACAAAAAAGAGGCAATAAAAGCTTATCTAGGCTTTTTTTAGAGTCTCGATGATGTCC  
AGGGGAGAAAGCTTCAGCTGGGTTTCTTCTAATTCTATTTCTGCTGTTGTTAAGTAAAGAATCCCCAATTTTG  
TACTGCCC GTTATCAGATCATTTGTGATTTTCAGATTGATTTGATTAGATATTGGGCTTTTGGATTGAGAAATCA  
TGGGTAGTGCTTCATCGATGCTCACTCAATATGATATTGAAGAAGTTCAAGAGCACTGCAATAAACTTTTCTCC  
CAACAGGAAATAGTGTCTTGTATCAGAGATTCTGCCAACTTGATAGAAATGCCAAGGGGTTTATTTTCAGCTG  
ATGAGTTCCTTTCAGTTCCTGAATTTGCTATGAATCCACTTTCTCAGCGTTTGCTCAAGATGGTTGATGGCTTGA  
ATTTTAAGGATTTTGTAGCTTTCTTGTGTCAGCATTGATGCTAAAGCTAGTGTGCACCATAAGATTGAATTTATTT  
TCAAGGTATATGATGCTGACTGCAACGGGAAGGTGTCTTCAATGACATAATTGAAGTGCTTCGGGATTTGTC  
GGGTCCATTATCTCTGACGAGCAGAGAGAGCAAGTATTGTGCCAATTATTACAAGAAGCAGGCTATACAAG  
AAACTCTCAGTTGACACTGGATGACTTCGTTAAGGTTCTTGGTAATTCAGGCATAAAAAATGGATGTAGAAGTT  
CCAGTCGACTAGTTGTTGATTTGTGATGTTCCATTACAGAACTTAGACCAGAGTGTATACATCTGCTTCAGTTCA  
TCTGTTACAGAAGGTTGTAATGGAAGACAAGATTTTATACTTTGT

>trans\_c\_1991 NM\_202873|Arabidopsis thaliana pleckstrin homology (PH) domain-containing protein-related (AT4G23895) mRNA, complete cds

AATTCTAGAAGTTGCCCTAAAATCCCTTTGCCAATTTGTTTGTAGCTATAGCAAGTCTTTGTTGTTTGATGGAC  
TAATGAACATCCAAATCCCCCATGGAAATTGTTGTTTTCTAGCTTTGTTTTGAGAATCTCCCTTTATCATGC  
AACCATTCTCTCTTTAGTTGTGCAACTGCTTCTCCAAGTTACAGTCATCTTAATGGATGATACCTCCACAAGGAT  
AAAGTTTATTCCAGATCACTTTCAAGTTTCACCTTCCAATTCAGACTGTTCTGAAAATAGTACCCCATCTCATC  
CACTGAACACCAAAGAGTAAAAGATTCATCAAGGATAGGTCACATGACCATTCTTGGACTCGGCGAAAACTAA  
GAAGTGCCTCATTCATGTTGAACTTGCTTAGTCTCCGCGCACTGTCGTGGGGTTCGGGGAGTGATGGTCAAGA  
AAAGGTTGTGCTGAGTGCTGTGGAGTTAGCAACATTGCGATCCGAGATTGCTGATCTTGAAGAGCGGGAAGC  
TCACCTAAAAGCTCAGTTGGAACACATTGATGAACTTTTGGGTCTGCTCGTCTGTCGGGCTATTTGTACATTC  
GAACTAGATGGGAAGCCCTACCAGGAGAACCTCCACCTATCGATGATACCGATGTCGACGATTGGCTACCAC  
GCTTTGTTGTCTTACATGGAAAGTGTATATATTTCTACTTATCATCTACAGATATTAGCCCTCAGGATTCCACCC  
TTCTAGCTGACATCGTCGAAGTGGGTTCTCTGCCGAGCATTACACGTGAAGATGAAGATGAAGATGAAGATG  
TGAGATATGCATTCTACATTTCAACTCGTCAGGGGCTGCGATACGAATGCTCGAGTATTTCTAAGATTCAGGTG  
GACTCTTGTTATTGGCTTTGCAGAGTGATTGCAAGATAGGATGTGGAAATGAACTTCTAGTTCAAATAATG  
GAAGTATTAGTTTGAAGTAATTAAGTATGATTAACACATTTTTAGC

>trans\_c\_1992 AY093756|Arabidopsis thaliana At2g27260/F12K2.16 mRNA, complete cds

TCCAATTCTACCCTCAGGGTCAAGCTTATCCCTACGCTGCTCCCCCTTATTCTATCCTACCCAATACGCCAACC  
CCTACGATTCTACCCATCACAATGCTCGCTCTCTTTCTTCGAGCCCTTATTGCTGGAATCATCGTCGTATTAT  
CATCACTGCTGTAATTCTTTTCATTATCTGGCTTGTTCTCCGTCCCCAACTCCCTGAGTTTCGTGTCGACTCTTT  
CAAGTTACCAACTTCTCCACTGCTGCTCAGTCCCTCTCCGCTCCTGGTTCATTGGGTTTTCCGTCTTCAATCCCA  
ACAAGAAAATGACCGTTTCTTACGACTTCGTTCGATTCCACCCTTTTTTACAATAACGAGTTCCTTACCGAGACCC  
GAGTCCCTCCATTACCCAGGATAAGAGGACTCAATCGTTTGTTAATGCTTCTCTCTCTCTTAAATGCTTACG  
TCGAAGCTTCTTCTCTGAATAAAATTAACGATGACCGCCGACGAGGGACCATCAAATTCATGTGGGGGTCTC  
GGCTCGTGTTGGGTTCCGAGCAGGTTGGTGGAGGACCAGGAGGCGATTGCTTAGGGTGCTTTGCGAGGACC  
TGTCGGTTAGCTTCTCGTCGTCGAATAGCAGCGTTCCGGTAAGTTGATAGGTGAATCAAGAGCCTGCAGAGT  
CGGCATATGAGTGATTTTCTGCTGTTATAGTTAGTTCTTGATTTAATCCCGCTTAACCCCATGTTTAAAGGGA  
GTTAATTTTACAAAAAAGGAGGAAATTCATGTAGGCTTAAATGTACATGGATTTTTTAGGCTA  
TGAGTGAGTTGAAGTAGTAGTCTTTAAGTGGAGGTTGTATAGTTTATAATAAATTTTGTCTATCTGAATCTGA  
TGTTGATTTCTAAAAAAGGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAAT  
AAAAAAGGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAATGAGGAAAT

>trans\_c\_1993 AB040543|Glycine max copz2 mRNA for nonclathrin coat protein zeta2-COP, complete cds

AGTCGACGAAGTATTTGGACAGAGTCTCCTTTTTTCGATTTTCTTCTTGCCTTCAATAACGCGAGAGAGAT  
CCGACGGCGTTCGAATCCCGAAGAATATTTTCCCGGGAAAAATTTTCAAAATCAAATGGAATCTTGCCTTC  
CATTAAAAACATTCTTCTTTTGGATTCCGAAGGGAAGCGTGTAGCTGTCAAGTATTATTCTGATGACTGGCCTA  
CAAATAGTACAAAGGAAGCTTTTGGAGAAAGCCGTTTTCATCAAACTCAGAAGACTAATGCTCGAACAGAGGC  
GGAGATAGCAATGTTTGAGAACAAATATAGTGGTTTACAAGTTTGCTCAAGACCTTCATTTTTTTGTACGGGTG  
GAGAAGATGAAAATGAGCTCATTTTAGCATCCGTTCTTCAGGGATTTTTTGATGCTGTGGGCATTCTTCTAGG  
GGTAATGTAGAAAAGAAGGAGGCACTTGAGAACTTGGACCTCATTTTACTGTGTCTTGATGAAATTATTGACG  
GAGGCATTATTCTCGAGACCGATGCAAATGTCATAGCAGGGAAGGTCGCAAGTCACAGTATTGATAGTAATG  
CTCCTTTGTCTGAGCAGACAATAAGTCAAGCATTGGCCACAGCTCGGGAACATCTAGCAAGATCTCTTCTCAA

GTAATATGTTCTATTGATACAAGTGAGTGGCAAGAACTATCCCCACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAACAGTGAG  
AAAAAAAAAGAAAAAGAAAAATTCTGGTCGAGTTGGGGTGCTGTTTTTGGTAAGAGATTGATTGATGTTTG  
AGTTATCAATAGCAGCCTCATCTCATGTTTGTATATTAGCTCATACCATGCTGCCTTTGCCTTTTGGTAAACC  
TGATTTTGGATCTGAGCAGATGTGGTTCGTTGCGGGACTGGTGCTAAGTGTTATTATTTGTGCCTGTGGAGTT  
GCAAACTATGTTTTCTTTTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1994 XM\_002329264|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

CATTAACATGCCAGATTGCTCCCTGAGATTATCGACATTTTCATCATTTTTGAAGCTATTTACTGCTGTTCCGGT  
TGTGGTTACTGCCTATGTATGCCATTACAATGTTACAGCATAAGCAATGAAGTGGAGGATTCTTCACAGATAA  
AGGCAGTTGTACGAACTGCCATTGCTTTGTGCGCTTCTGTTTATATTATGACCAGCATCTTCGGCTATCTCCTTT  
TTGGTGAAGGAACTCTCTCAGACGTACTTGCAAACCTTTGATGCTGACCTTGGCATTCCCTATGGTTCTGTGTTT  
AATGATGCTGTCCGTGTCAGCTATGCAGCACATCTGATGCTTGATTTCCAATCGTTTTTACCCGTTGAGAGTT  
AAGTTGGATGGCCTCCTCTTCCATCCGCTCGACCATTTGCTCCGAGACAATTTGAGATTTTCGCTGATCACAGTC  
ACACTTATTACTCTCCTTTTCTGGGAGCAAATTTCAATCCAAGCATCTGGGATGTCTTCCAATTTACTGGTGCA  
ACTGCTGCTGTCTGCCTTGGATTCAATTCCCTGCTTCTGTAGCTTTGAGGGATTCACACAATATAGCGACGAA  
AAAGGACAAGGTGTTGGGTATTTTCATGGTTGTTCTTGACAGTTTTCTCAAACATCATTGCCATATACAGTGATG  
CCTACGCATTGTTCAAAAGGGACTCCTCACCCCGAACTAATCGATCATGCTCTCTCTCTGATCACGACATG  
ATCGTTGTATCTTCAGCCAAGAAAGCTCAACTGATGCAAAACCAGATGCATTGTGTCAATCGGAAGTTTGAAG  
GTTTGGGTAAAGACTTTTAGTTCAAATAATTAGATGAATGTGACAGTTGTGTTGGAGGTTGGTTCGTACTGTCT  
ATTGTCCTTCATGTGTATTATATAATATTATCCCTTATTAGTTTGCAATAAACATGATGGAACGTTTGATGG  
ACACACGTTTCTATTGTTTTGTTGTTGTCTATTAAA

>trans\_c\_1995 NM\_104116|Arabidopsis thaliana Ran-binding protein 1 domain-containing protein  
/ RanBP1 domain-containing protein (AT1G52380) mRNA, complete cds

AGACAAAAGTGAAGGAGAGCCTAGTAAGGAGGCTGCTCCTTTGAACTCATTCCAACAATTATCGAGCAGCCA  
GAATGCCTTCACTGGTCTTGCGGGTACTGGATTTTCGACATCTACATTCTCCTTCGGTAACATACCCAAGGATG  
GGGTGGCCTAACTACTAGTTTTGGTCTCTCTAATAATGGTAGCTCCGCCCTCTTGGTACTTCAGGTTCTTCCA  
CTGTTTCCAAGAGTGAGAGAAGTGGCTTTCATCAATGCAAGAGGTCGCAGTTGAACTGGTGAAGAAAATG  
AAAAGGTGGTTTTCAATGCTGATTCTATATTGTTTGAAGTTCATTGATGGATCGTGGAAGAACGTGGAAGGG  
GGAGCTGAAAGTTAATGTCCCTACTAGTGGGACCGGCACAGGGAGGATTCTTATGAGAGCCAGGGGAAATTA  
CAGGTTAATTTTGAATGCAAGTCTTACCCTGATATGAAGCTCACAAACATGGACAAGAGAGGAATCACCTTT  
GCCTGCATGAACAGCACCATCGATGGGAAGGATGGTCTCTCAACCTTTGGTGTGAAGTTCAAGGATGTATCCA  
TAGTTGAAGAGTTTCGAGCAGCAGTTACTGAACATAAAGGTAAAGCTTCTTCTACAGTTCTGAAAACACCTGA  
GAATTCTCCTTAAGAACTCGATGATTTGAAAGTTCTACATATTTTCTGCTTGTAGTGGGAGTATCTATCACGAA  
AGACAGCTCGAGCAAGTAGTTTTTTTTTCCGGTTCGGCGTTCCATAAGCCATTATGTAGCAGAGTCATAGAAT  
CTTACTCATTTTGTGTAGCTTTATTTGTCATATTAGACTCCTTTTCTGCTCATATCTTTTGGATGGAACATATTTT  
GAGGCTTGAATATGCTCCCAAACCATGGAATTGGTAGAATCTCATAATTGTTCTTTTAACTTTCGATATGAAT  
CAGCTTTCGTGTTCCGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1996 AL161472|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 2

TGAAGATAAGGAAGTGATTTTTGACTATGTAAAGGCAGTGTTGTCAGCATCAGGCCTTACCTGGAACCAGATC  
TGTGTAAGGTGGCTTCTTCAGAACAGCTTCTTGACTTGTTACTAATTGAGGAGGTAGATCTTTTCCCGAACCA  
GCTATGCTCCGACCAGAAGCTCCTTTTACTGTATTAGTGAAGTACTTGCTGATGTCTGTCAAACTTTCCCCC  
ATGGTTCTCATTTGTAAAACCTTGTTTACGATCGGACTATCTCGTTGAGGTTTGTGAAGGAGTATATTGGCATC

TCCTTCCACTGCCACAGCCTCTTACATTGGACCACCTTGTACGAAGGACATGAACAGAACCAGAACATGGAT  
AAACATTCATTCTGATGCTGAATCTATTGGTACCGAGACATGTGATGCCATATTCGATGATTTGGTGGACAATA  
CGATATTAAGCTGCGTATGTGATAGTTCAGATGACTTGTAAGAGTGTAGTGTTCAATTCAGTAAAATAATCAAA  
ACTTGGGACGACCTCCTTTTGATGAACTCTAATATGACTGAGCTGTTGCTAACTTGGTCCCTGAGATATGTGTA  
GATATCAACCACAATCTTATTAGTTCATAGCCATGGCTTTTCTGGCCTTCCCAACTCGTTCTAGTCGTCAAAC  
AATGCCTTCAATGGAGAAGGTTTAAGACTTCGGTCTGTGTGAAAACAGAGTCATGTTCTTTTTTACAGCTGAC  
TAAAATCGACTTTGGGTCTGGTGCGATGTTTGCACAGTTGCAGTAATGGAGGTGGCACCTCCTTTGTAGATC  
TTGTAGAGTTTGGTGTGTTGTATCAGTTGAGGAAATCGATATCGTGTGGTTTGATTCAATGATTTTTTTTTTTT  
CCCTTCTCTTTCTGGCTCACTTGTTAGTGTCTGTTACTTTCTGCTTGTGCTGTATTATTTGCAAAGATTATGAC  
AAACTGTGAATTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1997 XM\_002876351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAATTCAAATTCATTTCTTCTCGTTAATCATCTCTTCCATTTCTTCTCACTAAGATTTCGCACCACATTTTCTT  
GAACGAATTGGAATTTTGGTTTTCTGATATCCGCAAAATCAACGGATCTCATGGAGGCAAAGATTGGCAAATT  
GTTTGAATCCGTTTGTTCGTTCTTCGGCGGTGGCGACCAAATCCCTTGGTGTGATCGTGATGTTATCGCTGGGT  
GTGAAAGAGAAGTTGCAGAGGCCGATGAAAGTGCCTCGGAAGAACGCAAGAATGAAAGTATTATGAGGTTA  
TCATGGGCACTAGTTCCTCAAGGCAATCTGAGGATATCAATCGTGGCATAGCAATGCTTGAAGCTTCCTTAA  
CCATTTCTAGGACCCCTTTGCAACAGAGGGAGAACTTTATTTGCTGGCTGTTGGATATTACAGAAGTGGTGA  
ATATGCAAGGAGTCGGCAGCTTGTAACAATGTTTAGAGATTGCACCTGATTGGAGGCAAGCCTTAACACTT  
AAAAAGACTGTAGAAGATAAAATTGCAAAAGATGGAGTCATCGGTATCGGCATTACAGCTACAGCGGTGGGA  
CTTAGCTGCCGGGATTGCAGCAGCAGCAAGTCGTAGAAATTGAAATATCTATTCAATACATGCACAAGTCA  
AGTGCTTGGCCATGAGAAGAATCTTTAACAAAACCAAAATATTGTTGAAAGCAAATATCTCATATAGTTGTGC  
ATTATAAGAATTTTAAATTTCAACACTAGAAATCTTATTGTGTCTTCTTTGCTCATTTATTTTCTTTGTATGAA  
AAATAAGTTTACTAGTTACCTATGTTTACCTTCTATTCCTGTGCACCTTCTCAACGCTGAAAACATATGTTTGG  
TGTTGAAAATGTTGGTGAAACATTTTGTGTTGGTGATTGCAAAAAAATAAATCATAAACTAATAAAGATTAT  
TGCAATTTCAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_1998 NM\_001052555|Oryza sativa Japonica Group Os02g0169300 (Os02g0169300)  
mRNA, complete cds

ATAAGATGAGCCACATCTCCACTGGTGGTGGTGCCAGTTTAGAGCTTCTTGAGGGAAAAACGCTTCCCGCGCT  
CAGTGCTCTTGACGATGCTTGAGCTTGAGGGGAACTCAAACCTCTCGCCGTTTTCCATGTGTTATATCGTTAAG  
GTGGTTGTTGTTCAACCTTTTCGAGGATTTTCTCGAGTTTGTCTGTTTTCTTTGAGAAGAGGTTGTAGTTATAGG  
ATAGATTATCATTTGAATAAGTCTCAAATCTCCTCTGAACGTATATGGTCCACGTTATTGGATTGGATCATTTT  
TTTTCCATCTAATTTGAAATGTTAAGTAATGTTAATGCCTGGTTCATTGAGGCTGTTCAACCATTAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCC  
CCGGGGGGGCGGGGCCCAATCCCCCTAAAAGGGGCGAAATAACCCCCCCCAGGGGGCCGCTTTTAAAA  
ACCCCGGGGGGAAAAACCCGGGGTTAACACAAATAAAGCCCCCTGGGAAAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGG  
GGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCAACCCCTTCCCCAAATTTGCCCCCAGGGAAGGGGCCCCC  
CCCTTACCGCCCAAAAAACCGGGGGGGGGGGGGGTTACCCAAAGGGGGCCCTAATTTTGAGGCCCC  
CTAATCCCCGCTTTTTTTTTTTTTTCCCCTTTTTTTTGAAAATGTGGGGGGTTTTCCCCGAAAAATAAAAAA  
GGGGGGCCCCCTTTGGGGTTCAAATTTGGTTTTCCCGACCCCCCCCCCAAAA

>trans\_c\_1999\_AJ277744|Fagus sylvatica mRNA for ABA and calcium induced protein phosphatase 2C (PP2C), (pp2C2 gene)

[illegible]

>trans\_c\_2000 NM\_001049267|Oryza sativa Japonica Group Os01g0276800 (Os01g0276800)  
mRNA, complete cds

ATCTCAAGTTTATCACAAAAGCTAAAGAATGATTTTGGTCCAGAGAAGGAGTTCTATTCTATGATCAATG  
TTTTGAAATCAAGGAGAACAAATACGTTTACAAAATCTGTCTTACAAACAAGCTTCACAGGTCGAGGGGCAT  
TCAACAACCTCGTTTGGGGCGCTGGGATAAATTTGAAGACTCGTATAGGGTTATGATTTTTTCAAGTGGGGATA  
AGTGCTGGAATGGACCTGATAGAAGCTTAAAGGTTAAGCTAAGATGTGGGGTTAAAAATGGCATAACCGATG  
TAGATGAACCAAGCCGTTGCGAGTACGTGGCATTGTTATCAACCCAGCTGTTTGTGTAGAGGAAAAGCTTCA  
GGAATAAAAAACAAGTTGGACATGCTGAGTAAAGAAGAGGCAGAGAAGCATGATGAACTTTGAACTTCAG  
AATACAACGGGCTAGAGGAATGGTTTTTCTCTAAATCAGAAGGTGTAGTTCTATTATGGGTCGCGGGAGTGAC  
ACTTAAAACCTAATCCCCATTTTCGGACGTGGGATCTGCCAGACTAGTTTATGCAATTGATCTCGATAACCCTA  
TCAGGCCATCTTTGTGGACTAATTTATACTAATAGACGGAATGTCCAAATTATAATGAGCGAAATGGATATTTG  
TACTAGATGAGCTATATAACATTCATTTGAATTTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCG  
CCCCCAAAAATTTACCAAACCCCCCAACCCGGGGGGGGCCCGGGCCCCCATTTCCCCCAAAAGGGGGCCA  
AATACCCCCCCCCCGGGGCCGCCTTTTAAAACCGCCGGGAGGGGAAAACCCCGGGGTTCCCCCAATTAAACC  
CCTTGGAACAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAAAAACCAAAAGCCCCCCC

>trans\_c\_2001 XM\_002871283|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisome biogenesis protein  
PEX1, mRNA

ATAGCCAGCCATCATTGGATTCAAGTCGCTCAATTCTCATTTTCAATTCATGCGCCCAACTTAGTTTGATCTTGG  
AATTGAATCCACTATCTAATCACTCGTTTCTGCCGCGGGTTTCCGCTTGTGGAAGCTCCATTCTAAATACTA  
TGGAGTTGGAGGTGAGGACTGTGGGAGGGATGGAGAACTGTTTTGTGTCTCTCCTCTTGTTCTCATCCAAAC  
TCTCGAGAGGCGGCTGGTTTTGCCTCGGCCATGGACCGTCTCCCTGAAATACTCGTTCTTGAAGTTCGTAATT  
CCTCTCCGATGAGGTCTGGACGGTTTCTTGGTCTGGCGCTACCTCAACTTCTTCTGCAATTGAGGTCTGCAAG  
CAGTTTGCAGATTGCATTTCTTACCAGACTGTACCACTGTTCAAGTTCGAGCTGTTTCTAATGTGCCAAACGCT  
ACTGAAGTCTTGATAGAGCCATATAGTGAGGATGACTGGGAAGTTTTAGAGTTAAATGCAGAAATTGCTGAG  
GCAGCCATGTTGAACCAGGTCAGAATCATTCATGAAGCAATGAGATTTCTTTGTGGTTGCACGGTCGAACGG

TTGTTACGTTTCGCGTGGTTTCTACTTCTCCTAAGCGTGCGGTGGTGCAACTTGTGCGTGGAAGTGAAGTAGA  
AGTGTTATCAAAGACACGCAAGAAATTTCTGGACTCTAGAAAAGCTATGCTGCGAGTTCAAGATCTAGACAAG  
AGATTGATTTACAATAGTAATTGTACAGGCATTGAGGTTGAGTAGTGCCAACTTCTGTTGCCTTTATTCATCC  
TCAAACAGCTAAAAGTTTCTCATTGAATTTCTTGTAGTTGGTTTCTATATTGCCTAGATCATCACGAAAAGATA  
GTGCGAAGCGTAGTGAGAACAAATGATTTTGGGGAAGTTGAAAGTTCAACTGCAAATCAAACAGTGGAGA  
AAGAAATAATGGAGAGAAAAACCGACCGCTATTGTTTATCTTTTA

>trans\_c\_2002 L46702|Solanum tuberosum kinesin heavy chain-like protein mRNA, complete cds

AGCAACGGCATACTTCGGAGACTCAAATGAATGAAGAAAGTTCAAGATCACATTTGATACTTTCAATTATTATT  
GAAAGTACCAACCTTCAGACACAATCTGTTTCTAAAGGGAAGCTTAGTTTTGTTGACCTTGCGGGATCAGAGA  
GAGTGAAGAAGTCAGGCTCTTCTGGTAGCCAACTTAAGGAAGCTCAAAGCATAAAATAAATCACTTTTCGGCTCT  
TGGAGATGTCATCAGTGCTTTGTCTCCAGGGGTCAACACATACCTTACAGAAATCATAAGCTCACTATGCTG  
ATGAGTGATTCACTCGGTGGCAATGCCAAAACGCTTATGTTTGTCAATGTCTCTCAGCCGAATCCAACCTGGAT  
GAGACGTACAATTCATCATGTATGCATCAAGAGTTGATCAATTGTTAATGATCCAAGCAAAAATGTATCATC  
TAAGGAGGTTGCTCGACTGAAAAAATGGTTGCTTATTGGAAAGAACAAGCAGGTAGGAGGGGAGAGGATG  
AGGAGTTGGAAGAAATTCAAAACGAACGACATACTAAAGAAAAAAGAGACGTTAGATATTCCATGTAGAACC  
TTTAGTACGTTGCAATTATCAAGTATATAACTTGGTAGGTAGGGTTGGGCGATGAGAAGTGAATCGACTAAAT  
GCCATTTGTTACCATTCTTATATCTGATTCTTATATTGCCATTGGGAATTTGGACTGTAAGTCTTAGCTTTTTA  
GGATGTCTTGCAATTGTATAGTTTGAGTAGTTTTGTATTGTATATATGGACAAATTTGTTGTTATCTTATCTATAC  
GCTACTTCTGTAATTAATGAATACTTCAGCCCTCCGGGTACTTTTGTGTTTTGTTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAATTTAACCAACCCCCCAACCCC

>trans\_c\_2003 NM\_129023|Arabidopsis thaliana ACD11 (ACCELERATED CELL DEATH 11);  
sphingosine transmembrane transporter (ACD11) mRNA, complete cds

ACAGCTTAAATCCCAACATTTTTCTTCTTCTCACAAAAGACCCTTTGGCTGCTTCATCTTCACCATATTTTCATTG  
CCGCAACCAGCTACTAGAGACACGCTGCAAAGAAACGAAGGGAAAAAACAGGTTTCAGAGGAGGGCTGCG  
GCGTCGGTTTCAATTTTCAAAGTACGACTAGGCGTTGGTTACGATTTTCAGAGGCAAAGTCCCCGGAGTGACA  
GACGGGCACCTAGGTCTTTCTGATGGGGGACCTTGGCGTAAAGCCGCTGCGAAATATATCTGAGTCCTTCAA  
GCCCTTGACGCCACTGTAAATGCTGAAAATACGACGGTCGAGGTTGCGCCGTTTTCTCGAGCCTGCTCCTTCAT  
TTCGCCTCTTTTTGGTTGCTTGGGCATAGCATTCAAATTTGCAGAAATGGACTATGTTGCTAAGGTTAATGATC  
TCGTAGAATCATCTAAGTCAATTGTATCTCTACAAGCGTTGCTGGACAAAGATATTGAATCTGACTGTGTCAGG  
AAAGCTGGTAGCCACTCGAGAAATCTCTTGAGAGTAAACGTGGGCTTGACATGGTCAGAGTACTCTTCGAG  
CAAATTCTAGTTACAGAAGGCAATTCGTTGAGAGATCCAGCTTCAAAGCATATGCACAGGTATTTGCTCCTCA  
CCATGGGTGGGCTATCAGAAAAGCTGTTGGGGCAGGGATGTATGCTCTTCCTACAAAGGCACAATTACTAAG  
CAAGCTCAATGAAGATGAAGCCTCAGCCAGAATTCTGATGCAAGATTATGTGGCTGCTTCTGCTCCTGTGATTC  
AGTATGTTGAAAAGCTCTTCTCTCCAGAGATTTTGGGCGTCGATTGGTAATATATCAACTACATATTATTATCT  
AAATACTTTGAGCCCTGTATATGTAATCTATTAATGTTTCTTGGCCCTCACCCAGAAAAGAAAGAAAAAAT  
AAAAATGCAATCAACTAGAAATCTTTCTTTGGCTTTATTTGAC

>trans\_c\_2004 NM\_001069812|Oryza sativa Japonica Group Os09g0439700 (Os09g0439700)  
mRNA, complete cds

TTAAACGTACAATTCACGTCTGATCCTTTTGATGGTTTCAATGGGTTATGGTGTGTTAGACCTACTCTAGGTG  
GACTGACGTCAAAGGTTCTCCTTGGATTAACTTCTTTCTGGCATCTGAAGTTCTGGAATTGGTTGAGAATGTG

GGTGCTGTAAGTGATCTTTCAGGAAAAGCAAGACTTTTCTTGGTACTACCTGTGGCAATCTTGGATGCTTTCTT  
CATTCTTTGGATATTTACCTCCCTCTCCGCAACTTTAAGCAAGCTTCAGGCTAGAAGATTGCCATCTAAATTGGA  
CATTTACAGAAAATTACAAATGCATTGGCGGTAAGTGTATTGTTTCTGTGGGTTGGATGTGCTATGAGCTTT  
ATTTCAAATCAAATGACATTTACAATGAGCAGTGGCAAAATGCATGGATCATCCCTGCCTTCTGGCAAGTCTTA  
TCATTTTCTCTATTGTGTGTCTTTGTGCTCTCTGGGCCCCCTCTCAAAATTCAATGCGGTATGCATACTCCGAA  
GATGCACACGAAGACTTCGACAAGGATGATACAAATTTAACTCATAAGACCATCTCCTATTTCTCGCCTTC  
AAAGGACGTTTCGGAGCGTACCAGACATTAACCCTGCGTGGGAAGCGACAATCCAGCTGGTGATTTAGAAGA  
AGATAAACAGAAATAAAATTGGAATTACAGGTTCTACTTTTGGATATCATAAATAGCCATAAGTTCATTTACTTT  
GTTATTAGCTGGGAAAATCTGGTAGTTTATAATTTCCATGGAAGAAAATACTATGAAAAGGAAAAACAGCTAT  
TTCAGTTTTGCTTTTTTGGGTTGTTCTTAAATCTTAATAGCCTGATGTAATAGTAGACTAGAGAAGTATTGTAG  
GTTTTTATAAATATTTTCTCTCATGTAGTTTTATCATTTGTTTCAAATAATCCTTCTGTAACTGTGCCTGATT  
TTGATATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2005 AY057538|Arabidopsis thaliana AT4g32140/F10N7\_50 mRNA, complete cds

AAGGAGCAAGCGAAGAGAAGAGGGGGAGGGATAGACGGGAAGTAACCACCACACCCATAGCTTTAATTCTT  
CGTATCTCTGCGTTTCTTTCATTAACAATCTACCCATTGCAATATAACCTGAACCAACACCAATCTTCAAGCAC  
CCATTGTTCTTTCTACCAACCCATTCACTTTCCCCCTTCTAGATCCGTTTTTTTTCAGTTTTCCCATGCCCACC  
ACTGAATTTGAAGCGACCTTTGAGATCTGGAAGAACAACGTCGATCCCTTTTCGAATTCTGTGATTTTTCTATCT  
GGGTTTTGTGTTTTCTGTGATGGGTTGGAGGTATAAGGCTGGTTTGTTCATAGTGACTGTTGTTATTATAT  
GGGTTACCTCAGCCGAAGTGACCCAGGACATATTTACTGCTTATAAGCAGCCTTTTGCAATAACATATCTCGGA  
GCTTCTCTCATGGTAGTTTACCTCCCAATAGCATTCTTAAGGATTGGTTTTGTAATTTGGTAAACGCCACTCT  
TCTAAAAGTGGTAAAAATGCAGAAAGCTTCAGTGAGACCTGTGCTCTAAAACAAAGTGGAGCCGAGACAAAC  
TTGGATGTGGAACCTCAGGGAAATTTACTAGAAAAGACAGTGATGCTGATTTTTCACTCATGCTGAAGAAA  
GCCCCCTTGTCTAGAAATAAAGATGATCCATATATATTGAAACAAGAGAAGGAGCTTACTAACAAGGAAAT  
TGCCACATATGGATTCTACATTGCGCCCATCTGGTTTGTAAACCGAGTATCTTCAAATGCTGCACTTGCCCCGA  
AAAGTGTTGCCAGTACAACAGTTTTATCCTCTACTTCTGGACTTTTTACTCTGTTTATTGGTGCTGCCCTTGCC  
AAGATTCATTAAATATGGTTAAAGTCGTTGCTGTCTTCGNTAGTATGGCTGGTGTCATTATGACAACTCTTGGT  
AAAACCTGGGCTCCGATGAGTCACAATACTGCTTCTG

>trans\_c\_2006 AY568518|Arabidopsis thaliana single domain cyclophilin type peptidyl-prolyl cis-  
trans isomerase (CYP21-1) mRNA, complete cds

CTCGTACGATCGACTCTCCACCGAATTGCTACCCAGTTCCTGTCCTCCGCGCGGCGACTGACATTTTCATTTGCATTT  
CCTATTTTTTCAATCAAATTACTTGAAACCGCTGAATCGAGATCCGCCATGGAGTTCCGACTATGAGAAAAATT  
GTGAGCTTGAAGAAGTAAGACACGGTTTGAGAGCCACGTTAACGATGCCTCGAGGATTCTCTTTGTTGTATCA  
ACCACGATGCCTCCTTCTCTTGATCGTCTTTCTCATTTTCCTTGTTCGCGCTCTTCACTCACAATCAAAGGGAA  
GAGAAACAAGAAGAAGAGCCAGAAATTACTCACAGGGTTTTCTTGGATGTTGATATTGAAGAACAGAGATTA  
GGTAGAATCGTGATTGGATTATATGGGCAGGTTGTACCCAAAACCGTAGAAAATTTAGGGGCTCTATGCACAG  
GGGAGAAAGGTAAACTACAAGTGGAAAAGCACTCCATTATAAAGGAACACCATTCACCGTATCGTATCTG  
GTTTCGTGATTCAAGGTGGTGATATTTTATATGGTGATGGAAAAGGATATGAATCAATTTATGGTGGTACATT  
TGCTGATGAGAACTTCAGAATAAAACATTACATGCAGGTGTTGTCTCCATGGTAAACTCAGGACCTGATTCA  
AATGGCTCACAATTTTTTATTACCACCATTAAGTCCAGCTGGTTAGATGGAGAGCACGTCGTCTTTGGCAAGGT  
TATCCAAGGAATGGACTACGTATATGCAATTGAAGGCGGAGCAGGAACCTATAGTGGGAAACCTAGAAAGAA  
GGTTACCATTGCTGACAGTGGGGAGATACCCAAGAGCAAGTGGGATGAGGAAGCATGAACGTGGTTTTGCTA

TTAACAACAGAAAATTTTCGTTTATTAATTCTTTTTCCCTCTATGGTTTTCAAGTTTCTTTTGATACGCCCTAAT  
ATCTACTTGTATGTATAAACAATATTATAGAAGTCATGTTGAACC

>trans\_c\_2007 HM122704|Malus x domestica TLP domain class transcription factor (TLP3) mRNA,  
complete cds

TGTGACCCTGCAGCTCGACAAAATAGCCGGTCAAGCCGTAGATTTGCTCTAAGCAAGTCTCTCCTAGGGTTC  
CTGCAAGTAACTACAGCGTAGGTACAATATCGTATGAACTTAATGTTCTTCGTACTAGAGGTCCTCGAAGGAT  
GCAGTGCATCATGCAAACGATTCCAGTATCTTCGATTCAGGAGGGAGGCACTGCCCCAACACCTACTTCATTC  
ACATACTCTATTGATGACCACCTTTCTTCATGTCCGATTCTATGAGAAAGGATTCAACAACCAAGGACTTTGG  
CTCAAAAATCCAATCAGAACCAGCAGTTCGGGCCTCGGATGAATCCTTGGTACTTAAAAACAAGGCACCGAGA  
TGGCAGGAGCAGCTGCAGTGTGCTGCCTAAATTTAGAGGGCGAGTGACTGTTGCATCCGTAAAGAACTTTC  
AACTCGTTGCAGCTGTTGATCAATCTACAATGTTTCAGTTGAAGAGCAAGAGAAGGTAATTCTCCAGTTCGG  
AAAAATTGAAAAGACATCTTCACCATGGATTATCATTATCCCCTCTCTGCATTCCAAGCCTTTGCTATCTGCTT  
GAGCAGCTTCGACACGAAGCCAGCCTGTGAATGACATCCTTCATGAATAGCGGTCATCATCAGAAGGTGCG  
AAAATGCTTGAGCTTGTGGGAAGAACTGCACAAGCAGCATTATTGACAGCTGAGAAGACGGCTATGCGATT  
GATATTGTCACTGAGAGGTTATTAATCTGAGGTTTGACTTGATTTTGTATTATCTCCTTGGCTCTTGACTTGTA  
TTTTGTATCATCTCCTTGGCTCTAATGGCGCATACATTGTTATAAATGTCAATCCGCGTTGTATTATCTATATGT  
AGATTTCTTCGTGTTTACTTCCTCGTACGATGAGACATTCTGATTGGAAATGGTTTAAACAACACTATTGTATGGT  
GGATTGTCCTTAAAAA

>trans\_c\_2008 NM\_001057849|Oryza sativa Japonica Group Os03g0756000 (Os03g0756000)  
mRNA, complete cds

AGAAGGTTGCTGAGGAGAAGCTTGGCCCCAACTGAAGTTATTGCTCCTATCAATACTGATTTGTGATTTTG  
ATCTCAGAATCAGGGATACTGGAGAATTGAGTTGCAGTGGGATTTTCATCTTTAATTTTATAAACTTTTATCTC  
TTTTTAGTAGACCATGATACATCTCTGTATGCTTCTAGATTTCTAAGTCAAGTCAAGTTTTTGATACATTTTG  
TTATGCATATCCAGTAGATTCACGATGCCTGTTTTAAACCAAGCAAAAATGTTTTGATTACTTATTGTATTTA  
TATTTAGTTTGTAAAAA  
AAAAA  
AAAAAAGGGCCCCCCCCC  
CCAAAATTTAAAAAACCCCCACCCCGGGGGGGCCCGGGCCCCCATTCCCCCAAAGGGGGCCAAAT  
ACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTAAAACCCCCGGGGGGGAAAACCCGGGGGTTCCCCAATTAAACCCCT  
TGGAACCAACCCCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTCCCCAATTTTC  
CCCCCGAAAGGGAAAAGGGAACCCCCCGGAACGGCCCATTAACCGGGGGGGGGGGGGGTTACCCCG  
AAGGGGGCCCTAACTTTGGCGGGCCCCCAACCCCCCCCCCTTTCTTTTTTCCCTTTCTTTTCCCCCGTTTC  
CCGGGTTTCCCCGAAAAGTTTAAACGGGGGCCCTTTGGGGTCCAAATTAGGGTTTTCCGCCCCCCCCC  
CCAAAAAATTTTATAGGGGGGAGTTTCACGAGGGGGCCCCCCCC

>trans\_c\_2009 NM\_001073415|Oryza sativa Japonica Group Os12g0514600 (Os12g0514600)  
mRNA, complete cds

TGCGAGGGAATGGAATTGAAGAAAGAGAAAAAAGAGAAGAAAAATAATGAAATGATCAAAACCCTTCT  
TCCATTTCTCCTTCCTTCCTTCCTTCTTCACTCTCACTCTCTGCTCACAACCTCTCACTCTCACTCTCAA  
ACATCATCATCAACAACAACAGCAACAACCTCCGCTCCTTCTTTGTTTCACTTCTGTTTCTCAATCAAATGT  
AGAGAAATTTCTCTGACCTACCTTTCTTCTACCAACAACATCAACAACGAGGTTTTCTGAAATTCGCTTCA  
CCTCATAGGGAGATGAACAAGGAGCAGCGACCTGAACCTCTTGATTTCTTCATTTGGACTGTTGAGGATGTTG



GTTTGTGGTTGGAAGAGATAAATCTTGGAGGGTATCGCCAGACTTTTAAAGAAAATGGGGTCAATGGTGAGT  
ATCTCGAAGGGATGTCAATGTTACGACCGAACAGATTCTAAGGTTTATCAGACGATGCCATATGAAATGGGG  
AGATTTTCATCACACTTTGTAAGGAACCTCGACGAATTAAGTGGCTTGCTTGAAAGGGGAGCAAAAGGTACGT  
CGGCCATGGTGGGCACCATCATGCCTCTCTATGGTGTCTCAAGGTGGCTAAGCGTAACAGACAATCTCGAG  
TTGTTTCCTTGAAGCTGGAACCATAGAACCGAGATCAACTTATTTGTATGTGCTCATGTATTTCTTTTATGCGT  
GAAGAATATAAAAGGTAGAGAAGAAACATATTAGTTTATCCTTTTCTAAAAAAATTAATCGGTCAATATTACC  
TTTTCTTTTTTTGTTTTGTTTTGTTTTCTTTTTTTTCGTTTTTGTTTTTTCTTTTGTGTTAGAACTATGTCTATATA  
TACAAGGTTTATGTGTTCAAGTTTGGCGATCCCGCTTGAGGAAAAACAATGAAGCAACCAAGATCTTGTTGCAA  
ATTATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2010 AB286178|Nicotiana tabacum NtVDAC3 mRNA for voltage-dependent anion  
channel, complete cds

ACTCATTTCCAGCTGCTTTGGGGAAGAGGACTATCGTTTCCCTTCAGGATTTCCATTTCAATTCATTCTTCTGTT  
GAATCTTTACCTTCCATTTCAAAAATCATGGGAAAGGGTCTGGTCTCTACTCTGATATCGGCAAGAGAGCTA  
GAGATCTTCTGTACAAAGACTACCAGAGCGACCACAAGTTCACCATCACCACTACTCCCCACTGGAGTTGCT  
ATTACATCTTCAGGAACGAAGAAGGGTGACCTGTTTCTTGCTGATGTTAATACTCAGCTGAAGAACAAAAATA  
TCACAACCGATATCAAAGTCGACACAAGCTCCAATCTTGACAACCATCACTGTGGATGAACCTGCTCCTGG  
ATTGAAGGCAATTTTTAGCTTCAAAGTCCCGGATCAAAGGTCTGGTAAGGTGGAAGTGAATATCTCCATGAT  
TACGCCGGAATCAGCACGAGTATTGGATTGACAGCCAATCCTATTGTCAACTTTTCTGGTGTGTTGGATCAAA  
TCTTCTTGCCCTTGGTACCGATCTTTCATTTGATACAAAACCTGGAAATTTACCAAAGTCAATGCTGGACTGA  
GCTTTGCCAACGCTGACCTAATTGCTTCTTACCTTGAATGATAAGGGTGATACGTTGAGTGCATCCTACTAC  
CATACAGTGAACCCTTTGACTAGCACCGCTGTTGGTGCGGAGGTTGCTCATAGCTTTTCTCCAATGAGAACAC  
CATCACAGTTGGCACCCAACATGCACCTGATCCACTGACCTCAGTGAAGGCTCGGGTGAACAATTTGGGAAG  
GCAAGTGCTCTTATCCAGCACGAGTGGCGTCCAAAATCATTCTTCACTGTATCTGGCGAGGTAGACACAAAAG  
CAATTGAGAAGAGTGCAAAAGTTGGACTAGCTTTGGCCCTGAAGCCATGATAGGAAATTCTAGTCGCTAGTTA  
GCTATGGCTGGAAGAATTAAGGGTAGGGCTTCTGGTACATAG

>trans\_c\_2011 NM\_180178|Arabidopsis thaliana FMN binding (AT3G03890) mRNA, complete cds

GTAAATCTTCAATTTTGGAAATCAAGCCGCGTGGAGTTGCTTGAGCCGGCGGACGAGGGAGTCCGGTGAACA  
ATGGCGACGCTGACGCCACCTACCTTAACCTTCCGAATTTGTTCTCACACTGCCTTAAATGGCCGAATTGCCTTT  
CACTTTCTCGTTCTTTGACCTCCTCGTTCAATCATCGTCTTCGTCTTCCACTTTCCATGGCTGCGTCAACGGACT  
CCACTTCTCAGGCTCCGTCTGGCTATGCTAATAGCGACGACATTGATGTATCGAAGTTGATTCAAGCTCATCAG  
GAAAAGGCGGCTCGGCTTTGCCAGCTGAAGAGATTGGAACATTGCTGGATCAGAGTGTGCGCGGGACGCTC  
TCCACCTTTTCCCGGAGCTTTGAAGGTTATCCGTCTGGATCTTTGTGCACTTTGCATGCGATGCTGATGGTAC  
ACCTATACTTGCTGTGAGCAGTCTAGCAGAGCACGCTAAGAACTTGGAATAATCCGAAATGCTCATTGCTT  
GTGGCAAAAGAACCCGAGGATAGGGGAACCTTTAGTGGTCACTCTTCATGGTGATGCTGTGGCTGTTTCTGAA  
GAGGATAGACCTGCTGTTTCGTGCTGCATATTTGTCCAAGCATCCAAATGCATTTTGGGTTGACTTTGGCGACTT  
CAACTTTGTGTATATCAAACCAAGAGTGATACGATACGTGTCCGGGATTGCAACAGCTTCTTTGGGTTGAGGA  
GAACTAAGCGGTGAAGAGTACATGGCAGCACAAAGTTGATCCAATAGCTCAATTTGCAAAGCCTGTTACGTCTC  
ACATGAATAGAGATCATGCTGAAGATACAAAGAACATTGTGAGACACTGGACATCCATTCCGGTTGATTCTGC  
CATCATGCTGGATTGGATAGCCTTGGTTTAATGTTAAGGCTGATTATCGAGGGACTTCATTTAAGCTTCGTG  
TGCCTTTTCCAAAAGAGCAAAAATAGAAAAGATGTCAAGACTCTT

>trans\_c\_2012 XM\_002892263|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein,  
mRNA

GAAAAGTTAAAAGGGTTTTGCACATTGCTTGGACAATATTAATGGAGGTGGAATTTTTGCCATCGGGGAAGT  
GCTGCAGCCAAAAGTTCGCACCACTCCACTAGTGCCGCAACAGGCACATTACAATGTGTTTATGAAGGCAATT  
GAGGTTGACAATGAAGTGCTGAATCTCCCGACGGATGTTTTGATACTGATTTAAGGAAAGGAACAATTATTG  
ACAGTGGCACAACGTTGGCTTATTTCCAGATGTGATTTATGAACCATTAAATTCGAAGATTTTTGCAAGGCAG  
AGTACACTAAAGCTGCATACTGTTGAAGAACAATTTACCTGCTTTGAATATGATGGAAACGTTGACGATGGAT  
TTCCTACAGTGACATTTCATTTTGAAGATTCCCTGTCTTTGACAGTTTATCCTCATGAGTATCTATTTGATATTGA  
TAGTAATAAATGGTGTGTTGGTTGGCAGAATAGTGGTGCCCAATCTAGGGATGGAAAAGATATGATTCTGTT  
GGGAGATTTGGTGCTGCAAAATAGACTCGTGCTGTACGACTTGGAAAATCAGACCATTGGTTGGACAGAGTA  
TAATTGTTCTTCAAGCATTAAAGGTGAGGGATGAACATAGTGGAGCTATATATACAGTTGGGTCTCATGATCTTT  
CTTCAGCTTCTTCTAAGAGTTGAAAGAATATCGATCCTCTCGTTAATACTACTGCTTACCATACTTCATTCTTT  
TAGAACTAAAATAGATTGTTTACAGAGTTTTATCGATTATACACCACGTTGTATAATAATTATTTATGTA  
TATGCTCTGCCATACGATTCTTTTACATTATTCAATTGGTTCTTTAAGATCCATTGGCAGTGCTGAATGATTCTT  
TGGGCTTTCTGAAAATACTTGATTGATCTTTTTGATATTGGTAACTCATTTGTTTTGGTTAAGGATCAATTTT  
CATATTCAGCTGTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2013 Novel Gene

TTATGCAGTTATAACAAAGATTTTAATCTCTTTCCTACCTTTATCGTAAAATCATCATCTCTAACATTCTTGAATA  
TTTCTCTTAATCTTTGTGTTTAGCCATTAGAGACGATATTTGTAAGAAGAAATTATAAAAAACATATCCAAAAAG  
TTGTGTAAATAGGGAAGGACTATCGTGACTTTCACGTTCTTAGTATGATGAAATGATTCAAAGTGTTCACA  
CAAGAACATGGAAGACAAGATGAGAAACAACAAGAAAACACCTATCCACTCGATGGGTAAACACCAAAAAACA  
TCCCTACCTCTCCTGTTGCATTAAACCTTACCTTTCTTATCAACAATACGCACTCTCAATAACTGCTTCATGTC  
TCAATTGCCTTTAGTAGCTTTGAAGGGTCGGTTTTACGCTTCCTCTTGTAAGTATGATGAATGGAAGGTCTCAC  
AGACCGATAGGAAAAGACTATAAACCTACCTTGCAAGATGTAGGATGGTATAAAAAGTCCTTGTCATGTGTACTA  
TCGCATAGGAAAGGAGGAATAATAAGTTTTAGTCTTATATGCGTTAAACTATCTAGTTTTTCGGGCTTAACTT  
CAAGATCCAGCTTAAGTATTTTTGACTCTAGAGAATTCAGGTATACTCTAGCTTTCTCCCATCAATTGTGAAGA  
TGATCTTTCCACCTAGCCATGTCGCTAGGTGCAACCTTCAATGATAGCGTGAAGTATGTTTAACTTCAAGAA  
ACATTCTAAATTCTCATCGACATCACTTTGTAGATTAAAGTGACTTATTGAATGATAGTTTTAGTCACGATACT  
TATCTTTCTTTTGGTACAACTAATGTTAGTGTCTTTTAGACATGAACTAATGTTTGTTCGGTGAATTTTACGA  
ACAAAACATTGAACTTTAAGTAAGCTTTGAAGTTTCATAATATATTTGATGGAGAAAGTTATATATTTAAATTA  
TTTCATTTTGATGTGCGNTTCAAGCAACATG

>trans\_c\_2014 FJ619049|Jatropha curcas ubiquitin conjugating enzyme 2 (E2) mRNA, complete cds

AGTTTTCTTTTTCCATTTCTTCGTCGTTTCTCATCCTCATCCTTTCTTCGTCCTTCTCACAACAACAAACCCTCAC  
ACCACACCCTAAAGCTCCCTCACCTCAACCTCCTCTCTCTCCCTCTCTCTTCATTTTTTTAGCTTTTGCGGATG  
GCGTCGAAGAGGATCTTGAAGGAACTCAAGGATTTGCAGAAGGATCCTCCTACATCATGTAGCGCTGGTCCA  
GTTGCCGAAGACATGTTTCATTGGCAAGCTACCATAATGGGTCCTCCAGATAGTCCTTATGCTGGGGGCGTCT  
TCCTTGTACCAATTCATTTCTCCGATTATCCTTTAAGCCTCCGAAGGTGGCATTTAGAACAAGGTTTTCC  
ACCCAAATATCAACAGCAATGGTAGCATTTGCCTTGACATCTTGAAAGAGCAGTGGAGCCCTGCCCTAACTAT  
TTCCAAGGTCCTACTTTCAATCTGTTCACTGTTGACGGATCCAAATCCGGATGACCCCTCGTGCCTGAGATTG  
CTCATGTACAAGACTGACCGGAACAAATATGAGACAACCTGCTAGGAGCTGGACACAGAAGTACGCCATGG  
GCTAAGCGATGGTGACTTTAATGATAATGCATTTAGATTGTCCAATTTTTATGCTCTCACTGTCTGTTCTATAT  
ATGAATGAATCCTTTATCTCTCGGTCTGTTGCAACCATCGTATGCTGATGCTTGAGCAAAGAAAGGTCGTAAAC  
ATTTCCCTTTTCAATTCATTGGAAAATATTTTCTATTTGGTTGTGTGGATTAATATAATACAATATATAAGAC  
ACTGAAATGTATCTCGGTTCCCTTTTTCTTTTCTCTTTTTTGGTTATTTTATGCTCTGTTTTTCTTCGCTGTTCT

ATAGACCAGACTACTTCATTGTACATTTGTTTTCTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2015 NM\_001057415 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0673800 (Os03g0673800)  
mRNA, complete cds

CTATCGTCTGGATGGGCAAGTTTGTCTTGTGAAGTCATGCAACTTTTTCTCTTACTTGGAACCTCTTCAGAAGA  
TGGATATTTAGAATCAAGATTGAACCTTTTATGAACCCCTTGCCTTTCCATATCACACCGAAGTTCCTCGAATT  
CTCCTCTTCGGTTTCCTCGGCTTTACTTGTTCATTTTGGCTCCTTTGATCACACCGTTCGTGCTGTTTTACTTTTT  
TCTTGCCTACCTGTTTACAAAAACCAGATTCTCAACGTGTATATATCGAAATACGAAAGTGGGGGACAATTTT  
GGCCCATAGCTCACAAACACAACCATCTTGTATGGTAGTGGCTCAAATAATTGCTCTTGGAGTCTTTGGTGTA  
AAAGAATCTCCAGTTGCTTCAGGTTTCACAATTCCTTTGATTGTCGGCACACTCCTCTTTCATGGGTACTGCAG  
GCAGCGATTTTCGTCTATATTCCGAGACCCAGCTGCAGAGGTGCTAATTGAGATGGACAGAAAAGATGAAGA  
ATGTGGGAGGATGGAAGAGATGTATCAACAATTGCGTACAGCCTATTGCCAGTTCACACTCTTAGCTAAGCGA  
AACACTAGTACGTCGGGGTGTTCGAGTGGTCACGATAGTGAAAGCAATGTGACAGAGCTGGAAAGCGCTAG  
ACCAGGTTACAGTCTAACAACCTCTGGCTGTCATTCCTTGTGAAGAAACCATGTTGAGTAAAATTTTGTGGGC  
ATCTGCTTTGTTTGTGAATTCAGGGAATCCCCAGCAAGTAATTGAGTTGTGGAATGCTCCTTCTTGTCAATT  
GAGTGAACCACTACTCATCACAAGTAAATTCTCAGTCTTTATTTCTTTCTTTTCATCCCAAACCCAATTGTTCT  
GTTAAATGTACAAATTTTATGTCAAATCTTCATTTAGTAACTACACTGTCCAATAAAAAAGTTTCGCTCTTTTT  
GGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2016 X64562 | *L. esculentum* mRNA for ribosomal protein L2

TCCCTTCCCCTTCCCCTTCCCCTTCCCCTTCCCCAAACCTAATTTCCATTCTCAATGGGTCTGTGATCAGA  
GCTCAACGTAAGGGTGCGGGATCTGTCTCCGCTCTCACTCACCACCGGAAGGGCCCGGCGTTTCCGGT  
CACTCGACTTCGGCGAGCGTAATGGCTACCTGAAAGGTGTGGTCAGCGAAATCATTACGATCCGGGCAGAG  
GTGCACCGTTGGCCCGTGTTACCTTCCGCCATCCCTTCCGCTACAAGCACCAGAAGGAACTCTTCATCGCCGT  
GAGGGTATGTACTGGTCAGTTCGTTTACTGCGGGAAAAAGGCTAATCTTGTGTTGTTGTAATGTGCTCCCCA  
TTAGAGCCATTCTGAAGGAGCTGTGGTTGTAATGTGGAGCACCATGTTGGCGACAGAGGTGTGTTTGCTA  
GATGCTCTGGTGATTATGCCGTTGTTATCAGCCACAACCCAGACAATGATACCAGCAGGATTAAGCTACCATCT  
GGAGCGAAGAAGATTGTACCCAGTGGATGCCGTGCTATGATTGGTCAGGTTGCTGGAGGAGGAAGAACAGA  
GAAGCCTCTTCTTAAGGCAGGTAATGCTTACCACAAGTTCGCTGTCAAGCGTAACTGCTGGCCGAAGGTGCGT  
GGTGTGCTATGAATCCAGTTGAACATCCCCATGGTGGTGGTAACCATCAACATATTGGTCACGCCAGCACTG  
TCCGCCGTGATGCACCTCCTGGTCAAAAGGTTGGTCTCATTGCTGCCAGAAGAACTGGTCGGCTCCGAGGACA  
GGCTGCTGCTACTGCTGCCAAGGCTGACAAGGCTTAAAGTGATTCAATCGGTTCCAGACTTATTTTCCAAAATC  
CTTAGCCCCCTTACATTATGTTTGATTGGATTTGCATTTTGTGAAGACCCTATTTAGAAGTTTTTGTCTAAAT  
TTTGTTACAAAATCCTTTTTTGAACATAATATTCCTCGCACCT

>trans\_c\_2017 XM\_002875246 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* transcription factor S-II domain-  
containing protein, mRNA

AACCCTATTTAATGGCATATTCGAAAATAATGTAAACTAAATCTTTTTTTTTAAAAAAAAAAGAAAAAGAAA  
AGCAAAACCCTATTTTCACCTTCTAGCCCCACGCCTGTTGCCGGCTCGTCACCCGCCTCCGCCGCCGCTCGTTAC  
TGAATCTCGCCCCGACAAGTTGTCTAGGTAACAGCAAACCGTTCATCGTTTCTCTTCATCAATGATCGA  
TTGAGCTTGGTTGCCATAATTTGAATGGAATCGAAATTCTGATTTCCGACGGTTGGCTTTCGTCCGGTTCCAA  
TTTCCGCGCGTTTAGATGAATATCCACACATTCTAGCGGTGCGTTCGATTTTTCATTTTGAACCGGACC  
GAACCTGTTTCGAGTCCTGCTCCTTGACCTTGAAGTAGGAAGCTATTGGGAAGCAGCAAGGACCACTCATGG

CTTATCCCGTGGACACGACTTCTTGTTTTGCAATTTGTGTGGAACCATGTTGTCATTCTGCTCAACGAAATATG  
TTGAGTGCCCTTTGTGCAAGTCTAAGCGAAGTGCAAAAGAGATCAACGGTAGAGAAATAAGTTACACAGTTA  
CTGCTGAGGAAATTAGAAAGCAGTTGGGAATTTCTACTAATTGGTGAAGAGAAAATGCAGCTAGCAAAGGAAA  
GGAGAAGATGTGAAAAATGTGGAAATGATGAAGCTTGTTTGAGAGCAGACAGATGAGATCGGCTGATGAA  
GGGCAGACCACATTTTATACCTGCACTAAATGCCATCATCAGACTAGAGAGAATTGATCTTCCATGCAATTTT  
TCTAGGATGTCAGTGTCTTCATCCTTGGATTAGTTGGGTGGTTCATTGGAATCCAAAAGCATAACATGATGAA  
TTATGTTATTAACAATTAATACTCGATCTTCATGGGATGATTTACTCTATATGAGAATATGACGAAGTAGCAAA  
ATTCGTCAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2018 NM\_001051452 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0867900 (Os01g0867900)  
mRNA, complete cds

ATTCTGATCCCGACGAGGATACTCCCAAGTCCCCTCCATCTTCTCCAGTTCATCCACTCGCAAGGCTTGCTATG  
CTGTTCTCCAAAGTTGGGTCTCAAAGAAGTTCATGACTGGATGTGTGGTTCTGTTTCTGTTGCCATTACATTCT  
TCATCACATGGTGGTTTGTCCAGTTTGTGATAGCTTCTCAGCCCCGTTATATGCCAGGCTTGGCATAACATA  
TTTGGTCTTGGATTTGTTTCATCTTTGATATTTATATTTTTATTGGTCTATTTGCTTCATCATGGATGGGTGCCA  
CTGTGTTTTGGCTAGGAGAGTGGTTATAAAAAAGATGCCCTTTGTAAAGCACATTTATTACAGCTTCAAAACAA  
ATTAGTGCAGCTATTTCTCCAGACCAAAGTACCACAGCATTCAAGGAAGTGGCCATAATACGGCATCCAAGAA  
TTGGTGAATATGCAATTGGCTTTATTACCTCATCCGTTGTTCTTCAGATCAACGGATATGAAGAGTTATGCAGT  
GTTTATGTTCCACAAATCATCTTTACATCGGTGACGTTTTTCTTATAAAATCTGAAGACATCATACGACCAAT  
TTATCTATCCGAGAAGCCATAGAAATCATAGTTTCGGTAGGGATGACGATGCCGCAGGAAATTTCTCCTGTTG  
AAAGAAAAAGGATTCCACATCAAAATGATATGATCCCGTTCAATAGAATGGCTTCCATTTGAAAGGTTATACA  
TCAAGCATTTACTAACTAGTCTTACCTTGCACATAACTTAAGTACTTTAGGACATCTTCACAACCCATTGT  
CTGTACCGGCATATATGAATTTCCATACTTATACATGACCACGTATATAAAGTGAATATCTACTTGAAAAGGA  
AGAACATTAAACGTTGAATGTTAAAAGGGGGAAATTGAGCTTCTAACCTTGGTAAATAGTACAACTTTATTT  
CAGCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2019 AB490002 | *Citrullus lanatus* subsp. *vulgaris* CitCaEFh mRNA for calcium-binding EF-  
hand protein, complete cds

GCAACTTCCTTCTTCTACTTCCTTCATCAATGGAACCCATCTTCAATTTTCTGTTATTGTCTGTTTTATTCGTTGCT  
GGTTTCGTAAATTTCTCCTATATTTCCCAACAAAAGATTCACCGCTTGGTTCCAATCTATAAAACCCTCATCTC  
AAATCCCCCATTTCAAATCCACTCCACTCCAACCACCACCGCCGCCGCCGCCACCTCCACCTCCACCGCCGT  
CCGCGATGGAGCTGAAGAAAGTGTTTGGAAACATTCGACAAGAACGACGATGGGTTCATTACAAAGAAGGAG  
TTGATGGAATCGTTGAAGAGTATGAGGATGATGATAACAGAGAAAGATGCAGAGGAAATGTTGAAAGAGGT  
TGATGAAAATGGAGATGGGTGATTGATTTTGAAGAGTTTTGTGTTTTGGGTGAGAAATTACTGATGGGTTTT  
GAAGAGAATAAGAAAACAAGTGTGGAGATGATGAAGAGGGATTGAAAGATGCATTTGGAGTTTTTGATAA  
GGATAGTGATGGGTGATTCTGTTGAGGAGTTGAGTTTGGTGTGTGTTTCATTAGGGATGAATGAAGGGAA  
AATTGTTGAGAATTGTAAAGAAATGATAAGGAAAGTGGATTTAGATGGTGATGGAATGGTGAATTTTGATGA  
GTTTAAAAAGATGATGAGAAATGAAGTAAGCATTTTGACATCATCTTAATTAATCTATACTTTTGTTTTTTTGTG  
GGTCTAATTGTTAGAAGCATAGGATTATGTAGGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGATTTGTGGATTTTGGTTT  
CTTCTTTTCTGGGAATTAGTTTATGAACTGATTATAGAATTTATCCCACTCTTGTCTCTAACTGTCCATTTT  
TTTACCATTATACAGTGCAAGTTTGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2020 NM\_118896 | *Arabidopsis thaliana* pfkB-type carbohydrate kinase family protein  
(AT4G27600) mRNA, complete cds

CAGCGTTAGCTAGTGTAATTAGCAAGACAAATGTACTTGTAGTTGAAGGGTATTTATTTGAACTGCCTGATAC  
AATTAACGATTCAAAAAGCATGCGAGGAAGCACACCGAAGCGGTGCTCTAGTTGCAGTCACAGCTTCAGA  
CGTCTCCTGCATCGAAAGACATTTTGACGATTTTGGGAAATTGTTGGAACTTTGCGGATATTGTTTTGCAA  
ACCATGAAGAAGCGGCAGCTCTATGTCATTTGACTCCAAGGAAAGTTCTATATCAGCTGTAAGGTATCTGAG  
TCATTTTGTTCGCTTGTCTCGGTCACGGATGGGCACAGAGTTTCATACATAGGTGTCAAAGGAGAAGCAGTA  
TATATCCACCTTGTCCATGCGTACCTCTCGACACTCGTGGCGCTGGAGATGCCTATGCGTCAGGTATTTGTA  
CGGTATTTTGCAAGGAGTCTCAGATTTGAAAGAAATGGGAACATTTGCAGCGAAAATTGCGGCCAGAGTGGT  
CGGGCAACAGGGAACCTGTTAAGGGTCAAGATGCCATGGAGCTTGCAGATGCATTTTCTAGCTTTCAGTCT  
GATATTGGCTCATCACATGTGTAGACTGTAGTGTGCAACTTGAACATCAAGCCATCTTCTTTTTTAATAAAGTTC  
TCTTATCACACATATATATATATATTACGTATCTAAATAAAAGTGGAGATGTGTGGAGATGTGCTTGTAAAG  
GAGCCCTTGTTCCTCGCATGTTAATAAATGTTTATTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
GGCCGCTCGGCCCTCAAAAAATTATCAAAACCAACAACTCAAGGGCGCCCCGCCCCCAAAAGCTTACT  
ATAACGAGCCACATTAAGGGGGGGCCCGGTACCCATTCTCCAATACGGGGCCGAAAAACCCCGCCCACT  
GCCCCGTTTTTACCATGCCGCGCCTGGCAAACCGTGGGGTGACCC

>trans\_c\_2021 AY104737|Zea mays PCO093291 mRNA sequence

ATTATGCCTGACCCAGGTTGCTGAGGATTCAGAAACAGAGGGCTACACATCTGCTGCCTTTCATCCTGATGGT  
CTCATCCTTGGAACAGGCACGTCAGAAGCCCTTGTTAAAATTTGGGATGTAAAAAGTCAGAAAAACGTGGCCA  
AATTCGATGGACATGTTGGGGCAGTAACTGCAATATCTTTTTCTGAAAATGGTTATTTCTTGCGACTGCAGCT  
CATGATGGAGTAAAGCTGTGGGACCTTCGAAAATTGAAGAACTTCCGTACATTTGCACCATATGATTCAGACA  
CTCCAACAACTCTGTGGACTTTGATCATAGTGGATCTTACCTCGCGATTGCTGGCTCAGACATAAGGGTTTAT  
CAAGTTGCTAGTGTGAAATCTGAATGGAATTGCATCAAACTCTTCCAGATTTGTCTGGCACAGGGAAAGCAA  
CTTGCTTAAATTTGGACCGGATGCAAAATACTTAGCCGTCGGGTCAATGGATCGGAATCTTCGAATTTTTGGC  
GTGCTTGGGGAGGATGGCGCCATGGAGACATGAGTTCGCATCCAGAATTTAAAAATCCTGAAAAGATGAATG  
CAAGCTTCTCGTTATATTAGACGATTCTGAAGCAGAGGCCTCTTTTGAATGTTCCAAGCAAAGCGGAGAGTT  
CTGTACGCCAAGATCAACAAGATGAGCTAAATATTTTACCATTCTTTTTCCGTTATAGTTTGACTAATTA  
GGTTTGATTCTCATTTCTATGAGTGCATGATTTTGCAGAGGTGTCTACTTTGCCATTTTCATGTAGCCATAGAAC  
GATGGCCATAGAAGTGTAAATATTCGCTGACATTTTCAATTAACGTTAAAGTTGCTTTTTGGTAGTGAATGTAC  
CTTAAAGTTTCTGCTTTCGTCACTTCCTGCCCAATGAAATATTGTGGGCTGTCTATTTATTATTATCATCATTAT  
TTATTACTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2022 NM\_001062294|Oryza sativa Japonica Group Os05g0460800 (Os05g0460800)  
mRNA, complete cds

AAGAGATCCAAACAAAACCCCTAATTCCAATCTACTTCTACTCCCAGATGTGATTTTACCTAG  
ACCTGAGAGAAGGGTATAAACTTTCTATTTCCATTTCGAATTTGAAGCTCAACAAGTGGGTTACTGTTCAATTT  
ATCAACAACCCAATGTCTCGTCTATCGAACTTGTATCTTCTAACTTACAATTCCTCCAGGGTTTTGGCTGGATG  
GTTTCTCTTTACAGACTTGTGGGAGATTTTGTAGCCACTAAATCTACTAGTGGTGCTTACTCGTCTACGGGAGA  
ACTTGTCTGTTTCTGCAAACTGCTGCATTCTTGAAGTCATTCATGGAGCTGTTGGCCTGGTACCAACTGGAG  
TGCTGCTTCTCTAATGCAGTGGGGTGGGAGGGTTCATTTTGTGGTTGCAGTTCTTCGTCAACTTGATGAGATT  
CAACAGTTGCCTTCTGTGTTCACTTTTCTTGGCTTGGAGCTTATCTGAGGTTATCAGATATTTTACCATGCTT  
TGAAGTCTTGGGAGTTTGCCATTTTGGCTTACATATCTTAGGTACACTGCATTCATAGTCTCTATCCTATTG  
GAGTGACAATTGGTGAAATGTGGCTCATGTACCAAGCAATTCCATTTATGATAAAGAAGAACCTCTATGCAGA  
TGTCTTTGATTACCTCCCCTTGAGCTATTACAATTCATCAGGGTCTGCTTCTTGTCTACCCATTATTGTTCTTG  
AAACTGTACCTTTATCTGTTCAAGCAAAGGAGATCAAAATTGGGCAAGCAGCATAAGAAGAAGAGAACTAA

AAGTTTAGGCTAATCTGGTATAATCTACGGTAACTATACTCATATTCTTGGATGTTTGAACAATTTAGACATAT  
ATAATTGTTTGACTTATATTGAAACACTTCACAAGATGGTGAATTGATTCTATAGCATCTAGTGGTAACCAGTT  
AGTTTCCTATGGCAAAAAAGTGTTTCTTGAC

>trans\_c\_2023 X85181|*S.oleracea* mRNA for alpha-glucan phosphorylase

CACTTATGTGCAAGCCAAGAGGATCGTGAAGTTCATTACAGATGTGGGGGCTACAGTAAATCATGATCCTGAA  
ATTGGTGACTTGTTGAAGGTAATTTTTGTTCCCGATTACAATGTCAGTGTTGCTGAACTACTTATCCCTGCAAG  
CGAGTTGTCACAGCATATCAGTACCGCTGGAATGGAAGCCAGTGGAACAAGTAATATGAAGTTTGCAATGAA  
TGGGTGCATCCTGATTGGGACTTTGGATGGAGCGAATGTTGAAATAAGGCAAGAAGTGGGAGCTGATAACTT  
TTTCTTGTTCCGTGCTGAAGCCACGAGATTGCTGGGCTTAGGAAAGAAAGAGCCGAGGGAAAGTTTATTCC  
GGACCCACGCTTTGAAGAAGTGAAAGAATATGTTGCAAGTGGTGTTTTTGGGCTTATGATTACGAAGAACTG  
ATAGGATCATTGGAGGGAAATGAAGGTTTTGGTCGTGCGGATTATTCCTTGTTGGGAAAGGACTTCCCCAGTT  
ATATCGAATGTCAAGAGAAGGTGCGACGAGGCCTACCGGGATCAAAAGAGATGGACGAGGATGTCAATACTG  
AACACGGCAGGATCATACAAGTTCAGCAGTGACAGAACCATTACGAATATGCCAAAGATATATGGAGCATT  
AAGCCTGTGAGTTACCATAAAATGACATGTGTGTTTTCTCAAATAAAAAATCCCAGAATTCAAATTTGGGTTT  
TGAAGAAGAAGCGTTTGGGTAGCATTGTAGAGAATGTTAAGTGGTCAGGAATAATATGTAGTTATTGTCAGT  
AGAATGTATTGCAATTTAGTCCCTATCCATTTAGATACATTTAAGTGAACCTTAGTAATCAGGATTTTCTCAGTT  
TATCAAAAGACCCTGAGAAAAATACCGTTTATAATAAAATCTCTTTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2024 XM\_002875478|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* transferase family protein, mRNA

AAAAAGCAAAGACGGAAGCCAATTCGTCATCATTTGTATGTTCTTTTAGTCGTTTCCAACTTTAAACCAACCCA  
AAGTTTTGAAAAATCTAATTGATTATCCCATCAGTTTCTTTTATTATCAATGGCTAACTTTTCTTCTCTAAAGT  
TAATTGACGTCTGCAAAGTCTCTCCTTCTCCGACAGCGGCGGCACCGTCATCTCTTCCCCTCACTTTCTTTGATT  
TGATGTGGCTAAGGTTTCATCCAATCCAACGTCTTTGTTCTACGAATTTCCATCAAACGAGATTCGTTTCACG  
ACACCATTGTTCCAAAACCTCAAGAGCTCTCTATCTTACTCTTCGTCATTATCTTCTCTGGCTGGCAATCTCGT  
TTGGCCATCTCAATTTGATGTACCCGTCGTAGAATTTGTCGAAGGCGATGGGGTTTCCATGACAGTGGCGGAG  
TTTGACGGTGACTTCAATCATCTTTCTGGTAACGGGTTTCGAGAAGTTTTGGAATTTATCCTCTTGTTCCTGAA  
TTGCCAATCTCTTATGATCGTGCTGCAGTCATTGCTATCCAGGTAACATAAATTTGAGAACAAGGTTTTTCCATT  
GGAATAACCAATCACCATGCAATCATAGATGGAAGAAGCTCAACTTCATTCAATTAATCATGGGCTCAAATTT  
GCATGGAAGAATCCTCTATACCAACCCCCAAGGAAATGCCATTATATGATAGGTCAGTTATAAATGATCCAAA  
AGGTCTTGCAAACTCTATGCAAAAGCATGGCAAGACCTAGAAGGACCCAACAACAAAAGCTTAAACCTTAAA  
ATGCCCCGAAACAAAACATGGTTTAATTAGAAGCACTTTAGAATTCACACACCAAAACATTCAAAGCTAAAAG  
AATGGATCTTGAACAAGAAGATCAAAAATGAAAATTTTGATTCTTCTTCTCTCACATATCTTCTTTGCAATAG  
CAACAGCTTATCTTTGTATTTGTACAGCCAAA

>trans\_c\_2025 AJ428413|*Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

AATGTTCTTTCAGAGGGCAATATGAATATTCTATTATGTTCTATCAACACACAAAAAGGGTTATACGATATATC  
TGGTGTGGAAGTCGGCAACACTTGATTGGCAAATAGGAGGTTTCCAAGTCCATGCCAAGTACTTATTACT  
TCTTGGGTTGTAATTGCTATCTTATTAGGTTGAGCCATTATAGCTGTTTCGTAATCCACAAACCATTCCTACTGAC  
GGTCAGAAATTTCTCGAATATGTCCTTGAATTCATTGAGACGTGAGCAAACTCAGATTGGCGAAGAATATG  
GTCCATGGGTTCCCTTTATTGGAATATGTTTCTATTTATTTTGTTCGAATTGGTCAGGAGCTTTTTACCTTG  
GAAAATCATACAGTTACCTCACGGAGAGTTAGCCGCACCCACAAATGATATAAATACTACTGTTGCTTTAGCTT  
TACTCACATCAGTAGCATATTTTTATGCGGGTCTTAGCAAAAAATGATTAAGTTATTTTCGGTAAATACATTCAA

CCAACTCCAATCCTTTTACCCATTAACATCTTAGAAGATTTACAAAAACCCTTATCACTTAGTTTTCGACTTTTCG  
GAAATATATTAGCTGATGAATTAGTAGTTGTTGTTCTTGTTCCTTAGTACCTTTAGTAGTTCCTATACCTGTTAT  
GTTCTTGGATTATTTACAAGTGGTATTCAAGCTCTATTTTTGCAACCCGCTGTCATCTTATATAGGCGAATC  
CATGGAGGGTCATCATTGATTAGTTTTCTAAATACTCTTTTTTTAGCTTAGACCAAGGCAATGTATACATGGCT  
CAAGATAATCTACTTAGGGAACATAAATATACAAATAATCATTTTTTAAGGAAAACGCGCGTCATCTAGGGAG  
TAAGACTAGAAAGATTATGATATTCGGGAATTAAGGAAAGAGATCTAAAAGATCTTTTCCTCTCAA  
CGATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2026 XM\_002870729|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata v-SNARE AtVTI1a, mRNA

AACAAAATTTTGGTGCTTCCTGACGGGGTCCGTTTCGCACTCCACCTGCCGTTTATTAATTCTTCCAATTTCTCG  
TTCTACACAATTCCTCATTCTCTGGGCTTTGCAATCTTTGATCCTATCTGGTTTGGGCACGATGAGTGAGGTGTT  
CGACGGATATGAACGACAATACTGCGAGCTTTTCGGCGAATCTGTCAAGAAAATGCACTTCGGCTAGTGCCCTT  
AATGGAGAGCAAAAGAAGCAAAAGGTTTCTGAAGTAAAGGCAGGAATTGATGAAGCAGAAGCTCTGATTTCG  
GAAAATGGATCTTGAGGCCAGAAAGTTTCCCGCCTAATGTCAAGGCTGTCCTTCTAGCTAAATTGAGAGAGTAC  
AAATCTGACCTCAACAACCTTAAAAAGTGAAGTTAAACGCATTGAATCTGGAAGCTTAAGTGCAGCCACTAGAG  
ACGAGTTGCTGGAATCAGGAATGGCTGATACATTGACGGCATCAGCTGACCAAAGTTCGAGATTAATGAGCA  
CAACAGAGAGGCTAGGTAAGTCAAGTGATAGAATTAAGGAAAGTCAAGAACCATGCTAGAAACCGAAGAA  
CTTGAGTTTTCAATTCTTCAAGATTTGCACTCGCAGAGACAGTCTCTTGCATGCTCATAATACGCTTCATGG  
AGTAGATGACAATATAGGGAAGAGTAAGAGAATTTTAACCAACATGTCGAGAAGGATGAACAAGAACAAT  
GGATTGTTACATCCATAATTGTTGTTCTTGTATTGGCCATCATCCTGATATTGTACTTCAAACCTACCAAATAGT  
AAGGATATATATATATATATCTTTCTTCATTTGGGTTTGTCAATTGTTGTTGAGTGTTGTTGAAACATGAG  
TTCATGGTTTATGTATTTTCTGGGTCTTTGTGAGTTGTACATGGCTTATGTCATGATTAATATATCTTGCCAG  
CATCTTTGTCTTAATTAAGATGGGCAAGTGTTCCAATACCATT

>trans\_c\_2027 XM\_002884172|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

ACCTTTCACATTTGGACCCTCTTCTCCGCCGGAACCTCCCGTCGACTCCTCAGTGTTGAATCCGACCATGGTGA  
AGCTCCATTGCTCTCAGTCATGGCTTTTTCTCCAATTTCAAGGTACTTCAGGCTCTATTCTACTCAACAAAATC  
CCTACCTTCTTCTCGAAGTACCGAGGATACTCTTCTCCTAAGGGTTTTTCGGGCAGGTGATCCTCGAATCTCAA  
TTGTTTCGCGTGTTGGACCAATGGATCGAAGAAGGCCGAAAAGTCAACCAATCTGATATCCAAGCGCTTATCAA  
GCAGCTCAGGAAGTTTGGTCGCTTCAACCATGCTCTGCAGTTGTGCGAATGGATACATAATGAAAGAAACAAA  
AACCCGTCACCTGGGGACATTGCTGTTCAAGTTCAGTTGCACTTAATTTCAAAGCTCGTGGTTTGGAAACAAGCTGAGA  
AGTATTTTAGCAGCATTAGGGAATCTTCAAGAGATCATAAGGTTTATGGAGCACTTCTAAACTGTTATGTAGA  
GAATAAAAATTTGGAAAAGGCAGAGGCAATCATGCAGAAAATGAGGGAAGTTGGATTATGAAAACACCACT  
TTCCTATAATGTTATGTTAAGCCTATATGCTGATCTCGGTAAACAGGAGAAGTTTGATGAATTAATCAAAGAAA  
TGGAAGAAATGGGAATTGGTCATGATAGATTTACATATAATATTCGTATGAATGCTTATGCAGCTACTTCCGAT  
ATAGCAAACATAGAAAAGCTTTTGTCAAAAATGGAGGCAGATTCACTAGTTGCTATGGATTGGCATGCTTATT  
TCACTGTAGGAAATGAATATTTAAAAGCTGGTTTTCTGAAAATGGTATATTGATGCTGAAGAAAGCAGAACA  
ACTCATTGGTGACAAGCAAAAGTGGTCTGCATATGAATATCTCATTACACTATATGGTGCTATTGGAAATAAG  
GATGAGGTGTATCGGGTTTGGAACTGTACTCGAATCTGGAAA

>trans\_c\_2028 NM\_001054263|Oryza sativa Japonica Group Os02g0677600 (Os02g0677600)  
mRNA, complete cds

CTCTCAACACAAGACCTACCATAAGAGAGTTCCCCAAATGGGGTGTAACCTAACTCTCCCAATACCCCAATTC  
TCTTCAAATTTGCCACAAAAAGATCCAACTTGGAGGCCAAAAGCATCAATTTTTCTCCACTTCCTGTCTCAACA  
ATCAAAACCAAGAAACACCCACAAAGATCCCAAAATCTAATATTTCCACTGTTCAATTCAGTCTCTCACAGCTT  
GCAAGCTTGGCATTCTAGATTCCCTGATTTCGATATAATGCTGAAGGAGGAACAGGAAGTGGGTCTGTCAA  
GATCCACGATGATAATAGCAGCAGCAGCCGACTTTAGTTTCTTCGATGTTGACACCTTTATATCCCACCATT  
GACAACTCAAACCACTAAGTTTCTGGGTCTTCATTGCCACCGTTTCTGAAGATTGACATTCTCCTGAATTCTT  
CCAAGGAAGCATCAATCAAGAGTCTGGCAAGGTTGAGCTTGAATTTGAGTCAAAGTTCATATTCTCAATTGGG  
AGTTTGATAAAGCTCCTCCATTGCTGGTAAAAACCGTGCTGAGTTCTGAAGAATCAAGAGGAATCATAAGAA  
GTGGAAAAGGAGAGAGATTGGATGATAAAGGAAAGTGCAGATTGGTAGGGGTGGCTACTGTTGACCCTATT  
GATGATTTGTTTCTCAATTCCTCTCTCTCCCCACTGAATGTATTGCAAACCTCAATGCTATAATCACATTCT  
CTTAGAGAGACAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAATTATAATAACACATTGATGTAATTGTTTGGGA  
CAAAATCAGACACATACATATTTGAAACAAATAATTTAATGCATAGGTAGTTGTTCTGGTCATCCATGATTTG  
TGTTTGAATTTTGTCAATTGCATTTTTTATAACCTTTCGTCTGGTTAAGAGCAAAAGAAACAATATCTTTTTTG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2029 NM\_001069303 | *Oryza sativa Japonica Group* Os09g0281600 (Os09g0281600)  
mRNA, complete cds

GGAGATACACCATTTAAATTTCTGTTTGATGAGAGTTCTGCAGATTACAAATACTATGAATATCAGCTAGCTCA  
AGAAGAAAAAGCTTTATCACAGTCCGTCTGAACTTAAATCCTCTAATGATGGTGGGAGCATGCAAATTTCTAAG  
CCAAGGACTGGTTCTCAGAAATCTCTCCAGCAGTCTTCCTCATCAAATTATCAAACCCATGCCTCTGCTTTATAT  
GAACCGTCAGAAGATTCAAGGACTTCGGTGGGTTTCATCCAGTACTACTGCATGGCCTGAAAGAGCAGGTGAA  
GCTAGACCACCATCAAGTGGAGATCCGATTGCAATGATGGAATTCTACATGAAGAAAGCTGCTCGCGAAGAG  
CGGATGAGACAACCTAAACAGTCAAAAGATGAAATGCCTCCTCCTGCGTCTCTTCAAGCTTCAGCCTTAGGGA  
AGAGAGGGCATCACATGGGTGACTTCATTCACGAGGAGCTTGAAAAGTTCTTAGCTACACGCAATGATGC  
ATCTGCCCCGAAATTTTCTAAAGAAGCCGCTGATAAGGCTAAAATTCAGGCTGATAATGTGGGGCACAGACTC  
CTATCTAAAATGGGATGGAAAGAAGGTGAGGGTCTGGGAAGCTCCAAGAGTGGCATTGCAGATCCCATAATG  
GCAGGTGATGTAAAAACAAATAAATTGGGTGTTGGAGCCCATCAACCTGGTGAGGTGACTCCTAAAGACGAT  
ATATACGAGCAGTACAAAAGCGAATGATGCTTGTTATCGTTACCGACCGAACCCACTGAATAACCTCGGA  
AAGCATACTATTGATTGATGACGGTTCTGCAAAGGCACTTTGATCATTCTGGCTCTGTTTCAAATTATGAGAA  
AAGCCAACTACGTGGTGGGAGTGGAATTATCTCGATCTATTGTGGCATAATTAATGTCTTAACCTCAATAAAT  
AATCAATAGATGTAGTTCTTTTATCCTGTCATTGATTTGTTTTTT

>trans\_c\_2030 Y12540 | *A. graveolens* mRNA for isocitrate dehydrogenase (NADP+)

TTCTCCTACTGCAACTCTCCATTCTCACCCATTTTTTTGTGCTTCATTTCTTGTCTCTCTGTACTCCCCATTT  
TCGATCTTCTCTTTGAGTACTTCCCTCAGAAGGAGCGAGACCACGAACCATGGCTTTCCAGAAGATCAAGGTT  
ACCAATCCCATCGTTGAGATGGACGGAGATGAAATGACTCGAGTTATCTGGGAATCAGTTAAGAATAAGCTTA  
TTTTCCCATTTTTGGAATTGGACATCAAGTATTTTGACCTTGGCCTTCACACCGTGATGCCACAGATGATAAA  
GTTACAATTGAAAGTGCAGAAGCTACTTTAAAGTACAATGTAGCAATCAAATGTGCAACAATTACTCCAGATG  
AGGCACGTGTTAAGGAATTTGGCTTGAAGCAGATGTGGAGAAGTCCAAATGGAACAATCAGGAATATTCTGA  
ATGGTACTGTCTTCAGAGAACCGATTCTTTGCAAAAATGTTCTCGCCTGTACCAGGTTGGACGAAGCCTATC  
TGATTGGAAGACATGCTTTTGGTGATCAATACAGAGCTACTGATACAGTCATCAAAGGACCTGGGAAACTGA  
AACTAGTTTTTGAGGGGCAGGAGACGCAAGAGATAGAGGTTTTCAATTTTACTGGTGCTGGAGGAGTTGCAT  
TAGCTATGTATAACACTGACGAGTCCATCCGCTCTTTTGCTGAGGCATCAATGGCCACTGCTTATGAGAAGAA  
ATGGCCTCTTTACCTTAGCACAAAAAATACTATTCTAAAGAAATACGATGGAAGATTCAAGGATATATTCCAAG



AAGTCTACGAATCTCAGTGGAAATCAAAGTTCGAAGCTGCTGGCATATGGTATGAACACCGTCTCATCGATGA  
TATGGTGGCTTATGCACTTAAGAGTGAAGGAGGTTATGTGTGGGCATGCAAGAACTATGATGGAGATGTTCA  
GAGTGATTTCTTAGCTCAAGGATTTGGATCTCTTGGGTTGATG

>trans\_c\_2031 AB107593|Citrus jambhiri RlemEH mRNA for soluble epoxide hydrolase, complete  
cds

AAGGGCTTCCGAGCCATTGCTCCTGACCTCCGCGGCTTCGGCGACTCCGATGCCCCGCCCTCTCCCTCCTCCTA  
TACCCCTCACCACATCGTTGGCGACCTTATTGGCCTTCTCGATCATCTCGGAATCGATCAAGTTTTTTGGTTGG  
CCACGATTGGGGCGCTATGATGGCCTGGTACTTTTGCCTTTTCAGGCCAGATCGAGTCAAGGCTTTAGTCAAC  
TTGAGTGTTCACTACCTCCTCGTAATCCCGCGGGCTCGCCTTTGCCGTTACCCGACGGTACCTGGGCGATGA  
TTTCTACATTTGTAAATTTAGGAACCTGGAGTAGCGGAAGCCGATTTTGGATCTGTAGATACGGCTACGATG  
ATGAAGAAATTCCTGACGATGAGAGATCCACGCCCTGCGATTATACCTAACGGATTCAAACACTGCTGGAGA  
CTCCAGAAATCTTACCTTCGTGGTTAACAGAGGAAGATATTGAGTATTTGCCTCCAAATTTCTCAAAACTGGC  
TTCACCGGCGGATTCAACTACTATCGTGCCCTTGACATAACTTGGGAGCTACCCGGGCCATGGAGCAGAGCAC  
AGATCAAAGTCCGACGAAATTTATAGTGGGGGATTTGGATTTGGTGTACAATTTTCCAGGTGCAAAGGAGTA  
TATCCACGGCGGCGGATTCAAGAAGGACGTACCGCTTCTGGAAGATGTGGTGGTGATAGAAGGAGCAGCTC  
ACTTCATTAACCAAGAAAAACCCGATGAAATAAGTTCTCTCATCTATGATTTATCACCAAATTTCTGAATTTGTC  
AGTATTCCTCAGCTTATCCTTTCCATTATCGTTTCATGTTATTAGATCTTCCTCTTCTTTTCCAATTTAGCCG  
GTAGTTTGGCGAAAGGAAATGTAATAAATGAATCACAATCGTCAGAAAAGTGGTTATTTAGTTTGATGTTTTA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2032 NM\_001056856|Oryza sativa Japonica Group Os03g0402000 (Os03g0402000)  
mRNA, complete cds

AAGGACGAAAATGGTATTTTGAGGAGTTTGTCTCTGCTCCAAAGCCTTTCTGCACCGTGACCGCCCTTATCG  
TCGGCATCGGCTACACTCTTCGCTTTCCGAATCAATTCTCCGGGCCAATAAGTACAGCGTTTCGAAAACTTTTC  
TTCGTGCTCAGCTCACAATTCAGATCCATCATGCCGACCGCTGGCCCTCGATCTGGTGATGCAATCTTCGCTAG  
TGTTGAGCGAGTGAATGCGGAGCTGTTACCTTGACTTATGGAGCGACTGTCCGTCAATTGCTTACGGATCTA  
GAGGAGGTTGAGGAGGTTAACAAGCAGCTCGATCAGATGGGTTATAATATTGGAATCAGGCTGATTGATGAA  
TTTCTAGCAAAATCTAATATCTCTAGATGTGTGGACTTCAAAGAGACAGCTGATGTGATTGCAAAGGTTGGTTT  
AAAGATGTTTTTGGGAGTGAATGCAACGGTGACCAACTGGGATGCTGAAGGCACATGCTGCAGCATTGTTCT  
GGAGGACAATCCATTAGTAGACTTCGTTGAGCTTCCTGATACTTGCCAAGGTCTCCATTACTGCAACATTTTAA  
GTGGAGTAATTAGAGGAGCACTTGAGATGGTGTCAATGAAAACAGAAGTAACATGGCTACGGGACATGCTG  
AGAGGAGACGACAGCTTTGAATTGCAAGTAAATTTGCTGAAGCAAGTCCCTGAAGAATACCCTTATAAAGAC  
GATGAATGAAATCACCCACCAAAGTCACTCTTAGTTTCACGTCAATTCCTCCTGTTCTTTCTTTCTTTCTTTTC  
TTTTCTTTTTTTTTTTTTTTGTACTGTGCATTTGCTCCAGAAAGAGATAGTGACGTTTCTAATTCCTCAACCATCT  
AACATCGTAATCAAAGTTATATTATATATAACATGTTTTCTATTGTGATGGGTTAAATGAATTTATATGGTAA  
ATAATTTACAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2033 BT011677|Arabidopsis thaliana At1g31780 gene, complete cds

TCGCTGTTGATCTCTCTCCACCACCGGCAGTTAGAGAAGGGGTATCTGTGCTGCTGGAAATAATTGACACTTAC  
AATAGCATGATGGTTCAGCTTCAGGGAAAAAGGCTGCTTTTGATCCAGTGTTATCTGCTTTACTCGATCCCAT  
AATTCAGATGTGTGAGCAAGCAGCAGAGATTCACAAGTCCAAGGGATCTAGCCACATATCAAGAAGGGGTAG  
GACGAATTCTGGTTCCAGTCAGAATAGCAAATCATCAGTAGATGCACTATTGTCCCAAAGCGGCCCTGCTCCA  
GCCTCTCAGGACACCGAAACACCTTCTAAGATCTTTCTGATCAATTGTCTATGTGCCATCCAACAACCATTATCT

>trans\_c\_2034 NM\_001055528|Oryza sativa Japonica Group Os03g0152600 (Os03g0152600)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_2035 XM\_002878026|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alpha-soluble nsf attachment protein (ALPHA-SNAP2), mRNA

AAAGCATGGGATAAAGCTGGGTCAATATACACAAAGCTGGCAAGTTGCTATTTGAAGGTGAAAAGTAAGCAT  
GAAGCTGCTCAAGCATCTGTTGATGCTGCCAATGCCTATAAGAAGACGTCTATTAAGGAGGCTATTTTCATGCA  
TGGAGGTGGCAGTAAATCTATTTTGTGATATTGGAAGGCTCAGTATGGCTGCAAGATATTTGAAGGAAATTGC  
TGAAGTATATGAGTCTGAGCAGAACATCGAAATGTCTATGAGTTATTATGAGAAAGCTGCTGACTTTTTCCAAA  
ATGAGGAAGTAACGACATCTGCGAACCAGTGCAAGCAGAAAGTGGCACAGTTTGCTGCTCAATTAGAAGAGT  
ACGATAAGGCAATTAATAATATATGAAGAGATTGCTCGACATTTCACTGAAAAATAACTTACTAAAAATATGGAGT  
CAAAGGACATCTTCTTAATGCTGGCTTATGTCAACTCTGCAAAGGTGATATTGTAGCCATCACCAAAGCATTGG  
AGGAATATCAGGAGTTAGATCCAACTTTTCTGGCACACGTGAATATAGACTTTTAGCTGATATTGCTAGTGCA  
ATAGATGAAGAAGACGTTGCAAAGTTTACTGACGTGGTTAAGGAGTTTGATAGCATGACCCCTCTGGACCCAT  
GGAAGACAACCTTTGCTGTTAAGAGTGAAGGAAAAGCTTAAAGCCAAGGAGTTGGAGGAGGATGACCTTACCT  
AAATTTCTCTATAATAAAATGTTTTGTTGGGTCTCTGTTTGTTGATTGTTGAACTATATATGATGAGATTTATGT  
AAATTTTCACCACATTTGTAATATCTGTGATTCTAGAAAACATTACCTGGATTGGGCTTCAATCAGTTTGCTTAC  
ACGAGTTTGTGAAGTTTGCCTATTTGAAACAATGCTTTCGTTTGGCTTTGCTTGAACATAAGTTTGAGACAATT  
GAAGATTACTTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2036 NM\_101800|Arabidopsis thaliana KCS4 (3-KETOACYL-COA SYNTHASE 4);  
acyltransferase/ catalytic/ transferase, transferring acyl groups other than amino-acyl grou> (KCS4)  
mRNA, complete cds

AGAAAAATAAAAAAGGAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAAAATTCCACTCTCTCCCTTCCATTGAAATTCCTTT  
CGCATCGGATTCGTCTTCGTTTTCCGTTTTCATTTCCACAGATTTTGCTTTCTCTGATATCACTCGCCGAAAAATC  
CTCCGCCGCTCCTCCATGGACCGAGGCGGCCCAACCCCTGCTCCCACCAAGTGGCTCCGGTACTGGTGCCCTTC  
GGATCCAACATTCCACAAGATTGCCTGATTTTCTTCAAAGCGTCAATCTCAAGTACGTCAAATTAGGGTACCAC  
TACTTGATTTCTAATCTATTAACCTTGTGTATTGTCCCTTTAATTGCCGTTACCCTAATCGAGGTTTCTCAAATGA  
ATCTCGATGATGTTTCGTACCTTTGGTTTCATCTCCAGTACAATTTGGTTAGCGTCATCATTTGTTCCACTGTACAT  
GGTTTTCGGTTTGACGGTTTATACTATGACTCGTCTCGTCTGTTTATCTTGTTGATTATTCCTGTTATCGCCCT  
GCCGATGACCTTAAGGCTCCATTTATCGATTGATGGAGCATTCCAGGCTAACAGGGGACTTTGATGATTCCTC  
CCTCGAGTTCCAGCGTAAAATTTGGAGCGCTCTGGACTTGGTGAGGAAACATATGTTCTGAAGCTATGCAT  
TGATTCTCTCTACCCCTTCCATGGCTGCCGCTAGAGAGGAGGCCGAACAGGTCATGTTTGGTGCTTTGGACA  
AATTGTTTGCTAATACTAATGTCAAACCTAAGGATATTGGTATTCTTGTTGTTAATTGCAGCTTGTTTAAACCAA  
CCCCTTCACTTTCTGCTATGATTGTTAACAAGTATAAATTGAGGGGTAATATAAGGAGCTTTAATTTANGTGGG  
ATGGGTTGTAGTGCTGGGGTTATTGCAGTTGACCTTGCTAAGGATTTTGTTGCAGTTCATAGGAACACTTTAG  
CTGTTGTTGTCAGTACTGAAAAATTTACTC

>trans\_c\_2037 EF363796|Cucumis sativus phospholipase D mRNA, complete cds

GATGGTGGAAGCATTGTTCAAGATCTACAAATCTCTACCATGTTCACTCATCACCAGAAGATTGTGGTGGTGG  
ATAGCCCAATGCCAAATGGAGATTTCGGATAGGAGGAGAATTGACATTGGATACTGCACATCATGACGATTTCC  
ATCAACCAAATTTTGTGGTGCATCAATAACAAAAGGTGGACCGAGGGAACCTTGGCACGATATCCATTCCCG  
ACTTGAAGGGCCCATTCCTGGGATGTCTTGTTCAATTTTGAGCAAAGGTGGAAGAAACAAGGTGGGAAGGA  
TGTAATTCTGCAACTTCGTGAGCTTGATGAAATAATTATTCCTCCATCTCCTGTTATGTACCCAGACGACCATGA  
CACCTGGAATGTTTCAGTTGTTTAGATCAATAGATGGTGGGGCAGCTTTTGGCTTTCCTGAGACCCCTGAAGAT  
GCTGCTAGAGCTGGACTTGTCAGTGGGAAAGATAACATTATTGATAGAAGCATTCAAGACGCTTACATTAATG  
CTATCCGACGGGCTAAGAACTTTATTTACATTGAAAACCAATATTTCTTGGAAGTTGTTTTGGATGGTCTCCT  
GATAATATCAAGCCTGAGGATATTGGTGCCTTGCACTGTATCCAAGAGAGCTTCCCTCAAGATCGTCAGTA  
AGATTAAAGCAGGGGAAAGGTTCACTGTCTATGTAGTTGTTCCAATGTGGCCAGAAGGTCTGCCGAAAGTG  
GATCGGTTTCAGGCAATATTAGATTGGCAGAGGAGGACATTAGAAATGATGTATAAAGATGTAATCGAGGCTC  
TTAGAGAACAAGGTAGCGAGGAAGACCCTCGCAACTACTTGACATTCTTCTGTCTTGGCAACCGGGAAAGTCAA  
GAGGTCTGGAGAATATGAACCTTCAGAAGCACCAGAGGAGGATTCTGATTATTTGAGAGCCCAGCAGGCCAG  
GCGTTTCATGATTTACGTCCACACCACCCGTCGTCGGTGGTATGATAG

>trans\_c\_2038 U22260|Nicotiana tabacum UMP synthase (pyr5-6) mRNA, partial cds

TGCTCGACATCGCCGAGAAAGTCGGGCCAGAGATTTGCTTACTGAAAACATCATGTGGATATACTGCCAGATTT  
CACCCCAGACTTTGGTTCCAAACTTCGCTCGATTGCTGAGAAATACAACCTCCTGATTTTGAAGATCGCAAGTT  
TGCGGACATTGGAAATACAGTTACAATGCAGTATGAAGGGGGTATTTTTCATATATTAGACTGGGCTGATATA  
GTCAATGCTCACATCATCTCTGGTCTGGAATTGTCGATGGATTGAAATTAAGGGGCTTCCTCGAGGTAGGG  
GTCTTTTACTGCTGGCTGAAATGAGCTCAGCTGGAAATCTTGCCACGGGAGACTATACATCTGCAGCTGTAA  
AATTGCAGAAGAACATTCGGATTTTCGTATTGGCTTCATTTTCGGTTAATCCAGCATCCTGGCCAGGTGCACCTG  
GAAATCCAACATTTATTCATGCCACCCCCGGTGTCCAAATGGTTAAGGGTGGAGACAATCTTGGACAGCAATA  
CAATACCCCATATTCTGTTGTATACGATAGAGGAAGTGATATCATAATAGTGGGGCGTGGGATAATAAAGGC  
AGCAATCCTGGAGAGGCAGCCCCGAGAGTATCGTTTGCAAGGATGGAATGCATATTTAGCTAAGACTGCTTA

GAAGTTAGAAAAGTCGTTCAACTAAATTAGCTTTAGTAACAACATCCAATGAATGCCAGTTTCTCTTCTGTTTTT  
TCTTTTTGCTGCTTCCCTACATGCTTTTGCTTGCAGGGATTGGAGGAGATATCCTATTTAAGAGAAAGCTCTA  
CTGAGTCAGCTTTCAAATAATTGTAACTTACTTTACAGGGTTAAGAAAAAGAAGAAAAAACAAGAAGTTTGA  
GGTTTTTCAGTTGTAACACCTATGAGCATTGTTATGTGACTGTCTTTCTATGTAAACCTTTTTGGGGTTAATCAT  
GACAATGAAAATAGTTTAGCAGATTTCTCTGTACAAAAA

>trans\_c\_2039 XM\_002876338|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata VQ motif-containing protein, mRNA

TCCTCACTCCATTCTTCCTTCTTCAACCTTCCAATTCCCATCCATCTATGGCTTCCTCCGACAATTTCCCTCC  
TTTCTTAACACTTGGTCCATCCGTTCCCTCCTTCCAAGACCTATGGCTTCCCGATCCTTTCTCCCGCAAGCTCAAT  
CCCTCACCAGAGCTCTTCAATCTTCCCTTCTCCCTCCTCCGATAATAATCCCCACTCCTCCTTCTCGACCTCAT  
CTCCCCCGATTCCAACGACCCCACTCCCACCGTTTCAGGTATCTCCGCCGGTGCCGCTCCCGAGCTCGACACCC  
CCCCTCCTGCCCCCTCCTCCTCAAGCGACACAGGTCTACGATCCCCCTACAGCTGGGAAGGTCTCCAAGCGC  
AAATCTAGAGCTTCCAAGAATCACACCACGTTTATTACGGCGGACCCGGCCAACCTCCGGCAGATGGTACAGC  
AAGTCACGGGTGTTAGGTTTGTAACCTCCAAATCCAGATTCCCCAATTCTTAAACCCGAGCCGAAAAGGGT  
TAGTGCTCGTTTCGCCGTGTGCGGCGGTGATGGACTTCCGACACTTGATACGTCAGCGTTTTTGCTTAACAACA  
ACCAGCAGCAGCAGCAGCAGAGCTCCGGGAGTGGATCGGAAATCACTCAACCGGGTCCAGTTTCGTTTGAGT  
CGGAGTTGGAGTTGCCGAATCACGGTCCAATCGGGGCAGATTTTGATACATTTTCGTCTTTTCCCACTCTTGAG  
TCATGGAAGGCTGTCATCTGATTGGGGGATAATTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTATTTTATTTTGGAAATTA  
ATATTTAGTTTTTTTTTTTTTTTGGAGGTAGTAAGATGATGGGATGGACATAAGGTTTTTCTTTTTTGGGGGT  
GGAAATTAGTGGTGTAAATGTAACGGTAAAAATAGTAAAATTATTAATGCCTACTTTTTTTTTCTTTGTGAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2040 NM\_001054003|Oryza sativa Japonica Group Os02g0622400 (Os02g0622400)  
mRNA, complete cds

ACTACTCCAATTCGAATCTCACCATTTTCCGATCATCTCCCTTCTCTCATTGCTCCAATCACACCTCGAAAAAAA  
AACCCAACTTTTTTCTTACTCTAGCAAATGGAGGGAACTGTGTTACCCCTGCCTTGAAGGAATTCAGCATGT  
CAAATCTGAAGCCGGGGAGATTTTGACCAAGCCTTTCTTGAAGCCTGCAAACATATTCTGCCTGTTATTGACA  
AGTTTGGAGCTGCTATGGCACTTGTTAAACTGACATTGGAGGCAACATAACGAGATTGGAGACCAAGTATTC  
TAGCAACCCAGCTGGATTCACTACTTGTATAACTTGGTGAAACCTGAGATTGAAACTAAACTGCAAAAGGA  
TCATCCAGTTGCACAAATGGTCTTCTTGGTTGACAAGAGCAATGGATTTCTTGGTAGAACTGTTTCGCAACTT  
ACTGGAGCATCAGGATTGGGCAATGTCTCGTGCCTGTACAGAAGCCTATGGCAAGACCTTGAAAAAGTGGCA  
TGGTTGGCTGGCCAGTTCAAGTTTCAGTGTTGCCATGAAGCTTGCTCCTGATCGTAAGAAGTTTATGGAAGTT  
ATATCAGGCAATGGCAATGTTGAAGCTGACATAGAGAAATTTGTACAAATTTTACCTCTCCTCCAAGAGAT  
TCACAAGTTTCTGGCTAGTGTTGGCATGGATGATCTCAAGGCTTCGTGAGAGACTAGTTGTTGCTGAAAATGA  
AGATGGACTTCTCCATTATATTGTGACTTCCTCTTTCGCTTATATTGATGGCTTATTTGAGATCCCTTTGACATC  
CTTAAATTTGAGACATAATCATTAACCTTTTTTAATCTTATTTTCTTCGATTTGATAATCTTATTTCTATTTGT  
ATGTGCTTTTGTGTGCCATATCACAGCTGGGCTCATCAACATTTTATATTCTGATTTCTGACGGGGATTGA  
ATCTTGTAATCCCTCTTTAATACCCTTTTG

>trans\_c\_2041 DQ223010|Glycine max chloroplast lipocalin (CHL) mRNA, complete cds; nuclear  
gene for chloroplast product

CAAAGTAATGTTGAAGAATAGTTTTGAGCAGCTCACTCTTAGAAAGCTTGTGTCCAGCATGTGCTCTCTGGAT  
TTGCTGCTTCATTGATATTTCTCACTCAAACAAACCAGGCTATCTCAGTAGATATACCTCGCCACGAAAACCTGT  
GTCAGCTTGCAAATGCAGAGAATGCTGCAAGCCTTCCTTTGTCAATGATTCTGATGGAGGGGGCAGGTTGAT

GATGATGAGAGGGATGACAGCCAAAAATTTTGGTCTGTTGATACTCAGGAAGATGGTTCGAAGTTGCATC  
ACTTAAAAGAGGATTTGCTGGCCAAGGTCAGGAAGACTGCCACTGCACCCAGGGTGTTCACACATTTGATATG  
GCGACACCAGCAATTCAGTAGATACCTTTTGTGTTTCATGGAAGCCCCAACGGATATATAACTGGGATAAGAG  
GAAGAGTTCAGTGTCTTGACAGAGGAAGATTTACAGAAAAACGCAACTGAGCTGGAGAAGCAGGAGATGATC  
AAGGAGAAATGTTACCTGCGTTTTCTACATTGCCATTTATCCCTAAGGAGCCATATGATGTCATTGCAACTGA  
TTATGACAACTTTGCTATAGTTTCTGGAGCCAAAGACCTTAGCTTTGTTTCAGATCTACTCAAGAACGCCAAACC  
CGGGACGTGATTTCATAGAGAAGTATAAATCATACTTTGGCGAACTTCGGGTACGATCCAAGCAAAATCAAGG  
ACACACCTCAAGATTGTGAAGTAATGTCAAATAGCCAGCTAGCTGCAATGATGTCAATGAGTGGAATGCAACA  
GGCTTTGACAAATCAGTTTCCAGATTTAGGGCTAAAGGCTCCTATTGAACTCAACCTTTTACAAGTGTATTTG  
ATACTTTCAAAAAGCTACTAGAACTCTATTTCAAGTAGTGTTCTGCTGTGCTATCCGTGTTGTTGAGCACGCT  
GATTTAATCGCTAATTAATGCTTTATTTAAAAA

>trans\_c\_2042 XM\_002869838|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata D-erythro-sphingosine kinase,  
mRNA

AGGAAGTTTGAACCTTGAACAACCAACAGCGGCTTAGCTTCAGTTAACCGTCGTGGAGCGCCTACGGTCTGAG  
TTCCAGCAGGGCCAGCCTAATTCGCTGTCTAAACGCCCACGTTTCATTGGTTTTCTCCGCCGGCGGCCATCA  
CCCATCAACACAAACCAACAGAGTATATACATACATATAGGAGATCGATATCCTTACGATTTTCTTTCTATTTT  
ATTCTGTTCTGAAACATGGATCAATCCGAAGACTCAGACTCCATTCTCAACCACCGTGTCTACTCCCCGACGG  
AACCGTCACGCCGATGATTCTTACTACCGACGGTTGGCTTCAGTGGTCGGAGAAAAGTCAACGGCGTTTGTC  
ATTGATAAAGAGGTTCTTGATTCTCTATGGATGGTCCGAAGATTAGGATCAAAGCTCTTGTGGAGGACCGTG  
GTGGATTCCGGTGTGTTTGGAAACAGCGGAGCTTTGGTGAGGAAGGAGTTTGTATTTACGCTCTTTCCGAAGA  
GTCGCGGGCGCTTTGGTGTCTGAAGCTCCGTGAATGCATCGATTTGCATGGTCGCCAAAAAAGCTGTTTGTT  
CTCGTTAACCATTTGGTGGGAAAGGAGCTGGTTCCAAAATTTATCGAGATGAAGTGAAGCCCATCTTGAGG  
ATGCCGAAATCAATGTCACACTGCAAGAGACTAAATATCAGCGCCACGCAGAGGAGGTGGCTTATTCATTGG  
ATTTTACTAATTACGATGGCATTGTTTGTGTTAGTGGTGATGGAATCTTGGTAGAGGTAATAAACGGATTGCT  
GAGGAGAGATGATTGGGGTTGATGCAATTAAGACGCCTTTAGGAGTAGTACCTGCAGGCACCGGAAATGGA  
ATGGTGAAATCACTTCTTCATTCAATCGGTGACCCTTTACAGCACGCAATGCTACTCTTGCCATCGTTCGAGGC  
CATAAATGTTTCATTGGATGTTGCCACCATTTTCGAAGGAGAGGCT

>trans\_c\_2043 XM\_002867004|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding 2 (ATGB2), mRNA

TTCAATCATCATCTCTTCCATTGCATAATTTACATTGCATCTCCATCTTTTCTCTTTCTTCATTTCTCTCTCG  
GTTTGATAGTGATGTCGTACGATTATCTGTTCAAGTACATCATCATCGGCGATACAGGTGTCGGCAAATCTTGCT  
TGCTTTTGCAGTTCACGGACAAGAGGTTTCAGCCTGTTACGATCTCACTATTGGCGTTGAGTTTGGTGCTCGT  
ATGGTCACCATCGATGGCCGACCTATTAAGCTTCAGATATGGGATACTGCTGGGCAAGAATCATTAGATCAA  
TTACAAGATCTTACTACAGAGGGGGCAGCTGGTGCTCTTTTAGTATATGACATTACCAGGAGGGAACTTTCAA  
TCACTTGGCAAGCTGGTTGGAAGATGCTCGGCAGCATGCAAATCCCAACATGTCGATTATGCTTGTAGGGAAC  
AAGGCTGATCTCGCTCATCGAAGAGCTGTAAGCAAGGAAGAGGGAGAACAATTTGCGAAAGAAAATGGACT  
CTTATTCTTAGAGGCATCTGCTAGAACAGCCCAAATGTTGAGGAGGCATTTATAAAACTGCAGCTAAAATA  
CTTCAAAATATTCAAGAAGGCGTCTTTGATGTATCCAATGAGTCATCTGGGATCAAGGTCGGTTATGGGCGTC  
CTCAAGGGCCATCTGGGGCGAGAGATGGAGCAGTTGCACAGAGAGGTGGATGCTGTGGCTAATTGTAACAC  
CAAAAGAAAGTAACGTGTATATGATGAAGAACCATTTTGTGCAAGTTGTTTTACTCTTGTCACCCACCATGA  
TTAAGTTTCTTGTGTATCCTTCTTCTATAAGCATTAGAATGTACAATGTACAGTGTCTTGATAACCTCAGAAGT  
CTATTTCCAAACTAATCTTTTCTACTCTGACTCCCAAAGCAATTAGTTTGTACATTTGATTAGATCTTTTGTT  
ATCCCTTTGTTCCCATCCTTAGATCACGCTTGATAAC

>trans\_c\_2044 NM\_203179|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein (AT5G48655) mRNA, complete cds

ATTCTCGTCTCAATCTCAATCTTTTTCTTAATTTCTCCCTTTATAATGCCGACTTTTCCTTCTCTTCCCTTCCATT  
TCTCAACCCTTAGAATCCTGACTACAAATATCACAAACCTAGAAGAACTAATCATATAATCAAATCTAATCTAT  
CTAACCCTCAAATTTGGTAGATATTTTTCAACCGCTTATTCAGGTTGCTGAGGAGCTTGAAGATATAGATG  
AGTACTCAGGCTATGAGGGGACATACCACAAGAGGTTATCATCGTAGGAAATCATTGGACTTGGACCTGAAC  
AGCATGCCACCAACTGAGAACCGAGATCAAGGAGAAACATCTCAACTGCGGCTTCAGGATGCACAGGTTAAT  
CAACAACAGCCTGTACAGCCTGCAATGATCGACATTGAGGCCATTGATGACGATGTCATTGAATCATCCGCCA  
GAGCTTTTGTGAAGCTAAAAATAAATCCAGACGAAATGCTAGGAAGAATGTAGTTGACGTGGATGCAGAAG  
AGCGGAGCAGGGTGTCAAATAATAACCGGAGCAAGCGTAGGAGAGATGTGTCTAACAGACCGTCTGTAAATT  
CAGATTTATTAATCAATTTGGAAGCGAGCAACAGTTCTATGAAAGTGAAGCCTGCTCCACCGAAAGAGCCCAA  
ATTGAGTTGTCCAATATGCATGGGTCCGTTAGTAGAAGAAACATCAACAAAGTGTGGTCATATTTTCTGTAAAG  
GCATGCATCAGGGCTGCAATAGGCGTCCAGAGTAAATGCCCAACATGTAGGAAGAGAGTAACTGCCAAAGAA  
CTGATTAGAGTATTCCTTCTGGGACAAGCTTGGAGTGAGGCTTACGTCTCACACCGGGATTTTTTTAAGACT  
TCGAAAGGGAACGGCAGAAAGTTTCTTTGTAGTAAGAAAAAAGCTAATTTTATAGATGGAAAAATTTCCAGTGTA  
TTCTGCTGATTTGCTGCATTTTGATGATCTCAGAGTTGCATT

>trans\_c\_2045 XM\_002863082|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata universal stress protein family protein, mRNA

ACCGAATCAGAAGGAAATGGCGGATTGTGTTGATTCTAAGAATAGGCAGACATGGCAGAGGTGGAGGCCA  
AGCTTTGTGTAATGGAAAGGGAAAAAGAAAGGTGCAATTTGTTAATATAGTTAGAGTTTTGAAACCAACTAAA  
ACCAAAATGACCACCTCATATTGCTTTCTCCTTCTCACTTTTGATTTTGCTTTTCCTTCACATTCATCAACATCAAT  
ATCAACAACATCTTGATCCAATTCTCTTTTCTTCTGGGTTACCGGCGTCGGCGGCTGCTGTTTCTGTTGAT  
GGTAGCATCGCCGGTCGGAACCCATGGGAGGAGGGCGGGCGTCGACGGCACCTTCTAGAAAGGTTATGGTG  
GTAGTAGATCCTACCCGAGAGTCCGCCGCTGCACTCCAATATGCTATTTACATGCTGTTATGGATAATGATCA  
GGTAATTCTCCTTCATGTTGATAACCCTAATTCTTGGAGGAACGCTATTTCTACGTTCTTAAGAGACCTAATGG  
TGGTGGATCTACTAATAGTAATAATAATAATGTTTCATGCTGCTGCTACTGCCACTGCCGCTTCCGACGGTG  
GACAAGGAGGAGGAGCTACGGCGGATGTGGATTTTCTGAGGAGATGAAGAAGGCCTGTAAGGTTGCTCAT  
CCGAAAGTGAAAGTGGGGACGCTGAGAGTTGAATTGGAAGGCAAAGACAAAGCCTCTATGATTATGGCTCA  
AACCAAATCTCTCGGTGTCGATCTGCTAGTCATAGGGCAGAGGCGAAGTCTCTCCACAGCTATCTTAGGATAT  
AGAAGGACAGGAGGGGCAATGAAAGGGGCAAAAATGTTGGACACAGCAGAGTATTTGATTGAGAACAGCA  
AATGCACTTGTGTTGCTGTACAAAAGAAGGGTCAAAATGCAGGCTATCTTTTAAACACCAAAACCCACAGAAA  
CTTCTGGCTTTTGGCTTGATATCTCTACTCTCTCCACCATTTCCTCA

>trans\_c\_2046 AB042400|Cucurbita moschata CmATS1;1 mRNA for glycerol-3-phosphate acyltransferase, partial cds

AGGAGGGGGTGGGTCACTAATATGGATTGCGCCAGCGGTGGCCGGGACCGACCGGATTCATCCACTG  
GAGAATGGTACCCAATCAAAGTAGTTCGTAAGTATGAGAGGATCAGGCACCCCTTGATGCTTCTTCAGTGG  
ACAACATGAGAAGGCTCGTTCAACACTCCGGAGTTCCTGGTCATTTGTGTCCCCTTGCTTTATTATGTTACGAC  
ATCATGCCGCCTCCTTCACAGGTAGAAATCGAAATTGGAGAAAAAAGAGTCATTTCTTTAACGGGGCGGGTT  
TGTCAGTGGGCCTTGAAATCAGCTTCGATGAAATTGCTGCTATCTGTGAAAATCCTGATGAGGTCAGGGAGGC  
ATACTCAAAGGCACTGTATGATTCTGTGGCCAAGCAATACAATGTTCTTAAAGCTGCTATTGACGGCAAACAA  
GGACTAGAAGCATCAACTGCGGATATCTCGTTGTCAACCTTGGATCTAGTCATTTGGAATCATTTTCAGTT  
CAATTCGTTTCATAATCAGGTCAGGACATAATTTGACAGTTTCGCAACTCACAGGACGCCACTGATCATTCAAT

TCGTGCATGAACTGTAAAAGGAAACCGATTCTTTCACTCATCGACATCTCAAGGGTTTTTTTCCAATTTACAGG  
CCTATCTCCTACCCCAAGCATGTGCATTTCAATAGACATCAAACTGCCTCAAATACTTGACCTCTCTTCGTAAT  
GTACAGATCTTGCATGTCTCTTAGAAAAAGGACACTCATAGTGGTCATTTCGTAATTTCTAAAGTGATATGT  
TTCCTTATCATTTTAATGTTTATATGCTTCATGAATAGTTTGCTCAATTTGTACCAAGTCTTCCCTTTCACTTGATA  
CCTTTTGATATAGAACAATAATTTTACTCAGATTCTTATTCCTGGATTGTGGTAGAAAATTGTTCTTTTGTCTTT  
CTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2047 AY316740|Lotus corniculatus var. japonicus VDAC2.1 mRNA, complete cds

CCATCACTCTAAATTTCTTTATGCTTTAAAATACTTCACATTTCCCCATTTCTTTTCTCTCTCCCAATTCTCCGG  
CGGATCTTCTTCTCTCTCTCTCGTTTCTCTGCAATTCCGATCCCCAAGATGAGCAAGGGACCCGGCCTTTT  
CTCCGACATCGGCAAGAAAGCTAAAGATCTTCTGACCAGGGACTACATCTCCGATCAGAAATTCTCCGTCTCTA  
CTTACAGCCATGCTGGAGTGGTCCTTACCTCAACCGCAGTGAAGAAAGGGGACTATCAACTGGGGATATTG  
CAGCACTGTATAAGTACAAGAATGTTACATTTGATGTTAAAGTTGATACAGAATCAAATATATCTACCATCGTC  
ACTTTAAATGAAATAGTTCCATCCACAAAGACTATTGCTTCAGTCAAGATCCCCGATTCTAACTCTGGCAAGTT  
GGAGGTTCAATATTTCCATGATCACGCAACCCTTGCTACTGCAGTTGCCTTGAATCAAAATCCCTTTGTCGATG  
TTTCAGCCACCATTTGGTACTCCAACCATTCGCTTCGGTGCAGAAGCAGGCTACGACACCACTTCTGGTAACTTC  
ACAAAGTACGCTGCTGGCATTAGCGTGACAAAACCTGACTCATCTGCATCAATAATCTTAGGTGACAAGGGAG  
ACTCAATAAGAGCTTCCTACGTGCACTATTTGGATCAATTCAAGAGGAGTGCTGCTGTGGGAGAGATCACCCG  
AAAATTCTCCACAAACGAGAACACTTTCACAGTAAGCGGGTCGTATGCCGTTGATCATCTGACAGTGGTGAAG  
GGGAAGCTGAACAACAATGGGAAGCTTGGGGCACTTCTACAACATGAAATTATTCGAAATCTTTGTTGGCGA  
TCTCGGGCGAGATCGACACAAAGGCATTGGACAGAGTTCCCAAGTTTGGTTTGTCTGTTGCCCTCAAGCCATA  
ATTATTTCAAAGGTTTTCTTTGAGAAAGGGACTAA

>trans\_c\_2048 HQ010041|Corylus heterophylla COR413-PM1 mRNA, complete cds

AATCCATTTCTTTATTTATATATTTAACACACAAAATCCTATCTGTCTTTCAGTGCTCTGCTTCGAAACTTTTCGCT  
TCTTCTTCTTCTTCTTCGAGATCGGAGATGGTGAAACCCAACCACTTGAAAATGGTGACGGATTCTGACGCTGC  
CGATCTGATTTCTCTGATCTCCGAGAACTTGGTAACGCTGCTAGAAAGCTTGCTACACACGCTGTAAAGCTCG  
GTGCTTCGGGTTTTACTGCTTCTTTTCTCCAATGGATTGCTTCCTTTGCTGCTATTTACTTGTTGATTTTGGATCG  
GACGAACTGGAAGACGAATATCCTTACTTCATTGTTGATTCCGTACATTTTCTTTAGTCTTCCCGGTTTGATTTT  
CGGTTTTCTCAGGGGAGAGTTTGAAAATGGGTGCGGTTATTGCTGTTGTGCTCCGTCTCTTCTTCCCGCGAC  
GATTTCCAGATTGGCTTGAAGTGCCTGGAGCTTTGATACTTCTCATTGTGGTGGCTCCAAGTTTATTTGCCTCCA  
CCATACGAAACGACGCCATCGGAGAAGCAATCTGTCTGATCATATCATGCTATTTACTGCAAGAACACATCAG  
AGCCTCTGGTGGATTAGAAAATCATTACAAAAGCGAATGGCATCTCAAACACCATCGGCATCATCTTCTCT  
TCGTTTTCCCTGTCTGGGCGTTGGTACTCCGTGTTCTTTGATTGGTTTTCTTTTTTCAAATGCAATTATGGATT  
ATTGATACTTTGTATTGTTTGGGAATGTGGGCTGTGAGATTTGTGTCTTAACCTTTTTTTTTCTCTTCAAATTG  
GTTGTTTGATTGTCTTAATATAGGGGCTGTATCAGTGTAAGTTAGATGATGAGTCTCTCACAACGATTTGTG  
TATCATTTCTTTTGTGGGACAAAAGTGAGATAATATATGTTATATTGATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2049 NM\_113162|Arabidopsis thaliana PBD1 (20S PROTEASOME BETA SUBUNIT D1);  
peptidase/ threonine-type endopeptidase (PBD1) mRNA, complete cds

TTCTTCAAATCGTTGTAAAGCATAATTGTAGAAGGGGAACTACCGAATTTACAGAGGCTTTCAAACCCAGA  
TCGATTTCAAGAAGAACGACAACAACAAGATATGGAGAGCGTATTTGGACTTGTTGGCAATGGATTGCG  
TCATCGTGCCGCCGACACATCGGCGGTGCACAGTATTTGGTTCATAAGTCCAACGAGGACAAGATCATGGT

CCTCGATTCTCACAAGCTCGTCGAGCGAGCGGCGAACCTGGCGATAGGGTTCAGTTCACGGAGTATATCCAG  
AAGAATGTGGCTTTGTATCAGTTTCGAAATGGTATCCCTTTAACCCTGCTGCTGCTGCTAACTTCACTCGCGG  
TGAACGCTACCGCCTTACGGAAGAATCCATATCCGTGAACGTTCTTCTGGCGGGATATGACAAGGAGACC  
GGCCATCCCTCTATTACATTGACTATATTGCCACCCTTACAAGGTTGAAAAGGGAGCTTTTGGTTATGGATC  
TTACTTTTCACTCGCCATGATGGACAGACACTACCACAGTGGCATGACAGAAGAAGAAGCCATTGATCTGGTT  
GACAAATGCATACTAGAGATCAGGTCCAGGCTTGTGTGGCTCCACCGAATTTTGTATCAAAATTGTAGACA  
AGAATGGAGCTAGGGAGGTTGCTTGGCGCGAATCCATCAAGGACGGAGTTAGTGTTCTTCAGCTTAAGATT  
TAAATGTTATATCAGCAGAGGCTTGCTTTTTTTTTTCTGTCTTCTTAACCTTGTATGGGTGACAAGCTGGGTG  
TATTTTACCCTCGTAGGCACCCTAGTTTCAGACATTTTGATAGAGTAATGTTGGGGTTACGTCTCTTATCCTGA  
ATACATGAACAGATGAACACATTTTGAAGTATTGATTGATTTATGTACTGAAGTTCAAAGGTCTACTTATGGA  
TAGATTCTTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2050 NM\_114287|Arabidopsis thaliana pyridine nucleotide-disulphide oxidoreductase  
family protein (AT3G44190) mRNA, complete cds

CGTGTCTATTGGATTCTACCAAAGGTCTCCAGATGATGGCGGCCGAGGACAAGAAGAGAGTGGTGGTTGTAG  
GTGGAGGAATTGGCGGCGCATTTGTTGCTTATTCTCTTCAATTTATCGCCGATGTCGTTCTAATCCATCAGAAA  
GAGTATTTGAGATCTCATGGGCAGGCTTGAGGTCAATGGTGGAGCCATCATTTGCTGAAAGATCTGTGATTA  
ATCATAAGAATACCTTCCCAATGCAAGAATTATTGCATCTTCAGCCACAAGTATTACAGACAAGGAAGTTTTTC  
GTGTCAGATGGCTCTTCAGTTCCCTACGATTATCTTGTTGTTGCCACCGGTCACAAGTGAAAACATTCCAAAAA  
GTAGAACTGAAAGGCTCAGTCAATACCAACCAGAATGTGACAAGATAAAATCTGCCGATACGATTTTAATAAT  
TGGAGGAGGCCCTACTGGTGTGAAGTTCAGCTGAAATTGCGGTTGATCTTCCCGAGAAAAATGTGAAATTA  
ATACACCGAGGGCCGAGATTAATGGAATCTTGTCGGGGCTAAGGCTTCTCAAAAAGCACTGGATTGGTTAAC  
ATCAAGAAAGTTGAAGTGATCTCCAACAATCTATTTCAATGCAATCTTTATCAGAGGGAGTATATCAAACCTT  
CACGTGGCGAGACTATTGCAGCCGATTGCCACTTTATGTGCACCGGANAACCAATTGGATCTCAGTGGCTGAA  
AGAGACCATCTTGGCAAAAAGCTTGGACATCCATGGAAGACTGATGGTCGACAAGCACCTGAGAGTCAGGG  
GTTTTAAGAATGTCTTTCAGGGGGAGATATCAGACCTTCATGAGATCATATAGGGTTATTTAGCACAAAG  
ACATGCCCATGTAACCTCCGAGAACCTGAAACTGATGCTTGAGGAGCAAATGAAAGCAAGATAGCTACGTG  
CAGACCCGGAACGCAGGTCGCAATCGTTTCTCTCGGAAGGAAAGAA

>trans\_c\_2051 Novel Gene

ACCTTCACATCCTCTCGGCTATGCCCAATCTTCCGATCTCGGAGATTGCTGTACAGAGAAACAACGGCGGAAA  
CAATGTTTACAGCTTTGGAAATAACACCACCGTGTCCGGCGGCGAAGCTTAATGTCGTTTCGAGCACTTCCAAG  
TGAATTTAAATTCTACCGACTACCTTACAATCTCGGCCTCCCTAACCGTCGACTTTCTTTGCTTTCGATACGAGC  
ACAATCGCTATCTGATCCTTCGACTTCATCGCGTTATACGGACACTATTGGAACTCCTCTCCAGCATTTCTTCA  
ATTCCCTCAGTGACGCTAACTCAACGCCACATCCTTGTCTCAATGTCGTTGCCCCGCGGACGGCTATTTCTGC  
AACCTGGCTCTTTTGTCTGCGATCCCCACTCTTCTGGCATTCAAGAGAGCAGCCGAATCATTAGAGAACTCA  
TGGATGTCACGAGGGAGGAACCTCCAGGAATATGGCAGCCATTCGGTTATCTGGCATGGAAATCAGTGATT  
TGACCATGGAACCTCAGTGATCTTGGCCAGGATATCACCCAAGGTGTGAGAAGTTCCACTAGAGCTGTTGAGT  
AGCTGAAGAGAGATTACGCCGCTTGACAAACATGTCTCCAACAGTGACAGGAAATGACAATAACCAATCTGGG  
AGTGAAGGGAGCAGATCCAGTTCTGGCTAAAAGGGCAAGAGACATTAAGGAAGGGATTGTGAAAGGACGTT  
CCATCTTCCAATTATTTCTTCCATTACAAGATTCTCTCGGCTGGCCTTGAATTATTTAGCAAACGAGGTAAGA  
AGTAGAGTAGTTGAAAGTCAAGATTCTCGATCATAATTTGATCAATGTAAGTAATTTCTTTCCCTCTGAGTT  
AACAAGTTTATGTATCGTTCCAATTTAATCGGATGTCTCTTATGAATTTTCTTCAAGAATCATTCTCAAGGTTT  
TTTTACCCTTGTGATGATGCGTCAAGTGTCTTGAAA



>trans\_c\_2052 NM\_113670|Arabidopsis thaliana glycosyl transferase family 17 protein  
(AT3G27540) mRNA, complete cds

CATATCAAAGATTGGCTCTAGATCAGCTTCTTAGGATTGCTGGGATACAGGATGATGACTTGTTGATCATGTCT  
GATGTCGACGAGATCCCAAGCGCTCACACTATAAACCTCTTGAGGTGGTGCGATGATGTTCCACCAATACTCC  
ACCTTCGATTAAGGAACTACCTTTACTCCTTTGAGTTTTATGCAGATGACAACAGTTGGAGAGCTTCTGTCCAT  
CAATACAAGCATGGTAAAACACGGTATGCTCATTATCGTCAATCCGATGTAATCTTATCGGATTTCAGGGTGGC  
ATTGTAGCCTTTGCTTCCGACATATCAGCGAGTTCATATTCAAGATGAAAGCGTACAGCCATTATGACAGAGTC  
AGATTTTCTCATTACTTGAACCCTGACAGAATTACAGGATATAATATGCAAAGGAGCAGACCTATTCGACATGCT  
TCCAGAAGAATACAGTTTCGGGAGATAATTGGGAAGATGGGACCAATCCCCCAGTCTTACTCAGCCGTTTCAT  
CTCCCTTCGTTCTGCTAAACAACGCTGAGAAGTATAAAATACTTGTTACCAGGTAAGTGCAGAAGAGAAAGTG  
GCTAAATTATGAAAAAGAACAAGATAGAAATGAAATGGCTTTGTAAATGTTGAACATAAAGAGATCCCTATTC  
TGGAGGTTAAAGGTTTGTGTCCAATGAAGTTGAGGCTGAAATGATGGGAACTGAGGGCGGAGACAAAACCTT  
CATATTTGTTGCAGCTGAGGAACCTGATTGTAATTGCTATTGGCTTTCTCAAAGTTGAATCAAATTTCCCAAGC  
TTCTCTTACAGGCATTGTTTAGGTAACACTGTAATTTCCACCATCTCTTTGTATTGATCTTAGAACATTTGTCACA  
GTACTCATTTATTCTTTTCCATAGTTTTTGTGTCGATGAAAAGAAAAGTTAATGTTCTTAGATATCTTCTTTTCT  
CCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2053 BT028985|Arabidopsis thaliana At4g37180 mRNA, complete cds

AAGGCAGAATCTCCGCGTCTTATTCCCTTCATTTTCTTTGTTTCTTCTTTTACACTCTTTCTTCAAACCCTTAA  
AATCCCTTTCTATATTTCCCATGTTCTTTTCATCTATTTCTTACCTTCTACCTAATTTCTGATTATCCCCATCTGG  
GTTCTCTCAATTTATCCCAAATGCCTTCTTTCTCTCTCCCAACACCATCTCTCACTTTCTCCATCAGATTTCTT  
CTCTTTCCAATCCCTCAGACAGGGCTCTACACTCCATTCTCTTATCACCAACTTGGAGGATGAAATGAAGAAG  
ATCGATGCCTTCAAGCGCGAGCTTCCCTTATGTATGCTTCTATTGAACGATGCTATCCTTGCTTTGAAAGACACT  
TCACTGCAATGTGCTTCTTCTTGTCTTCTCCAAAACGTAAGCCAGTTTTGGAGGAATTCATGTCAATTGAACAAA  
GATTCTTCCGATGAGAATGAGAAGGAAGAGGATTGTAGAGATAAGAAGGAATGGATGAGCTCTGTTCAAGTTA  
TGGAAGACGGATGACTTGCAAAATACTCAAATCAAAACCAAGAGGAATGAGGGGTGGGGTTATGTAGCTGCT  
GCAGAGGATCGGATTCATCGAAAGAAGAATGAAGAGGGATTATTTGTTGGGTTCAAGCCATCTTCTTCTGCTT  
TTCCAGCCTTGGCTGCTGTGAAGAAGGAAGAGAAGATTGAATCTCCATTTGTGCACTTTCTTGTAGTCACTCCC  
AACTTGAAGACTACTAGAGAAGAGTCGGTTTTCTGTGTTTTGCGGTCAAGTGGCAACCGAGCAACTTCTACTT  
CTGCTGCTGATATTCAATCGAATCTACGGACGGCCGTGCCACCCCAACAGCAGCCTGCCGAAAGCAGAGGA  
GATGCTGGTCGCCAGAGTTGCATCGGCGGTTTGAGAATGCCTGCAGCAACTTGGAGGTTACAAGTTGCAA  
CACCGAAGCAAATAAGAGAGTTGATGCANGT

>trans\_c\_2054 NM\_001049216|Oryza sativa Japonica Group Os01g0266800 (Os01g0266800)  
mRNA, complete cds

AGGACTAATGTTGGATGTTGTGATACTAAAAGGTGGAAGAGGAGAAAACGCCGTTGAAAGGGAACAAAGGG  
GTTGGGTATGCGGGAATTCCAATTCCGAAAGCTTCGCCGAAGCCAACCTCTCGCCGGAATTCTACTACACGT  
CAGCTCGATCCTTGCCGGAAGCGACACGCCGCCGTTTCGAGCGTTTCTACGCCTGCCGAAAAGTGGGCCCCTC  
CGCTCTCGGTAATGACAGCTCATCTCCGATGAGGAATCTGACACAGCCGCCGTCTTCTCCCATTCGGCTGTCA  
CCCAGCCTCGCCCCATTCTCGATCGGTTGGTTATGGAACATTTTTAGCAGCATCAGCAAATTTGCCATTCCAA  
AGTAAGGGCTTCTCAGATGGATTTAGTGGAAGGAACTTTTACAAGAACATTCAAGTCATAGTGGTTTTGGCC  
AATTGTTGGGTTGGCTCATGGCTGCCATTTACATGGGTGGTCGACTCCCTCAAATTTGGTTAAATATCAAAAGA  
GGAAGTGTGGAGGGGCTGAATCCTCTCATGTTTGTGTTTGCCTTGATTGCTAATGCCACTTATGTAGCAAGCA  
TTGTAGTGAGAAGTACAGAATGGGAGAACATCAAAGCGAACATGCCATGGCTGCTTGATGCTGTTGTTTGTGT

CCTCCTCGACTTATTTATAATTCTTCAGTACATATATTATTACAGAAGATTTAGAAGGAAGAGACAAAGTGGAG  
GAAGAGATCAGTTCAAAGATTATGAAGAAGCAACAAAACATGCAATAACCTTATGACCTATTTAATTAATTAA  
ACAAACCCCTTTTTATTATTCTTCTTAATTGCTTTGCATGCCTTCCATTAATTAGAGATGTAAAAAAATGAGA  
TCCTTTTAGCCTTCTTACTAAGTGTGATTCAAGTGGAGATCAGATCCAAGTGCTCAAACCTTTTGCAGCCAATGC  
AATGAGTTTTCAATGAGTGCGTAGTTGAATAGTATTCTTT

>trans\_c\_2055 BT024496|Arabidopsis thaliana At2g19385 mRNA, complete cds

AGACCAAACCTCGTCTCCGCTTCCCGCTGTCTGTCTCTCAAAGATCACAATCTGCCGTTGTTACTACGAGTTTGGT  
TGCGTAGAGATGGTGTGGTTTTAGTGCAGGATTGCGGCGACAACCTCAAGAAACCCAAGCTGCCAAATCAC  
TTCAGAACTTGTTCCGCTACCAAGTTGTCTTGCATCGATTGTGGACAAACCTTTGGGCAGGAAAGCGTACAAG  
GCCATACTCAATGTATCACAGAAGCGGAAAAATATGGTCCCAAGGGGCAAGGTGCAGCCATGAGTGTACCA  
CCCCAAGTCCAACAAGGATTCGAAACAGCAACCTGATTTTGATATCCTCGTTGGATTGTCTGAGCGACCTCCC  
TGTTTTGCAGTCTTTGCAATACCAAGGCAACTAGTAAACAGACTTTGCTGCTTCATGCAGAAGGAAAGAAGC  
ACAAAGCAAAAGCCCGTGGGTTTTCATGCTGCAAAAAAACAATCTAATCAGACAGAGGAACTGTTCCAGAT  
CAAAAGCCTACTGCTGTTGACACTCCCAAATGCGAAGGTGCTGAAAATGGACATGTTGGGGCCGAAAAATCT  
CAAGATCAGCTTGAAGCCAAAAGTGAACCTTGGAAGTTGGAAGAAGAAAATGGTGCTTCACACACGAAGAAA  
AAGAGGAAACGAGATGCTGTGGATGGTGCTTCAACAGAAAAGACTAGAGATGATGATCCAAGTAGAGGTAA  
TGGGGGAGGTTATTCAGGCAACCAAAGCTGAGATTGAGCCAATAAAGGATGAGGCCATAGCATCCAAACCTC  
TGAAAGAAGATTGAAAATGAAGATTAAGTGGAAGAAAGCTGATAACGTCAATTTTGAAATCTAACCTGACG  
GTGTTCTTAAGTTGTCAAACTAAGAAAACCTTACCTTGAAGTCTATTCGTGAATCCGGTGTTACAGAAGATGA  
ACCCAACTATTGAGATGCTCGAGCTAAAGATCAATTCAAGTTCAAAATTT

>trans\_c\_2056 BT029155|Arabidopsis thaliana At3g48710 mRNA, complete cds

AGAAAACATACCTCGGATGTTGAGGAAGAAGAAGAGGATGATAATTTGAAGCCTCAAACGAAAAGGATGTTT  
CTCAAGATAAGGAAGATGACGACGATGATGCAACTGCCTCAAAGAAGAAATCGATGAAAAGGATAAATCA  
GATGAGGATGAAAAGACACCAGAGAAAATGCCTAGTCCAAAGAAGCCATCTAAGAAGGCTGGAAAAGATTCT  
TGGGTCTAAATCTGTTGAAAATCTTCTTCTACAAAGAAAGTGGCTGTGAAATCTGCTAAAGAAGCTGCAAAA  
TCAACTAAAAAATCATCTAGTTCCGGCTTCAAAAAAGGATGCTGTCAAATCTGTTGCCTCACCATCAAAGCCAA  
AGGGCTCATCCAAAAGCCAAAAGTCGAGGAAAAGAAGCCTGTAAAGGAAAAATCTTCAGGCAAGAAACAG  
ACGAGCAAAGCCCCTGCAAAGATTTCCGGTAGAAGAACAAGGCAAGGGAAAGAGTAGCAAGAAAGCTAAGAA  
AGAACCCAGCAGAGAGGAGATGCATGAAGTTGTAGTTAATATTCTGAAGCAAGTTGATTTCAATACTGCAACT  
TTGTCCGACATTCTCAGGCAACTTGGTACCCACTTTGGTGTGGATTTAATGCATAGGAAAGCAGAGGTGAAGG  
ATATTATAACAGATGTGATAAATAACATGAGTGATGAAGAAGAGGAGGCTGATGATGATGGTGGTGTATGATA  
CGGACAAAGATGAGGATAAGGATGAGGATGCTTAACCTGTTTAAATGTATCCTTACTTTTCTGTACCCCTGGCA  
GAAGATCATTTTACACTTTCTGAATGATCATCCCTTCATGATCTCCATCTGCAGTCTCGATTGTTACACCAAAT  
GTTTAGATATCTCTGGCATGGTCTGTATAATGTACCATATAGATTTAACATTTTTGTATGGTCAACTTGCTAGCC  
TACCCCATTTTTTCCCTTCCCCCCCCAACTAATTGTATTTTACCCCT

>trans\_c\_2057 BT029448|Arabidopsis thaliana At3g10405 mRNA, complete cds

AAGACTATATCAAACATAAATTAGTAACATTGATTCAACAAAGCGACGACGTTGGGGATAAGACACAAACCAC  
GGAGCTAATGGCTTCGTCTAACCTTCTGCCTTATCCATTTTTGAACTCACGTACCCTCCGGACAACCTTATT  
CCATTTTCATCAATGGCGCTTCTTCCAAAATCCACCTCTATCCGCTTCTTCTACGTGTAATCCCTTCAAGTTAAAG  
CTCCGACGAGTTTCAAAGCGTCTTCGGAAGGGGCTTCCAATGAATTAATCGAGGATACGAAGTTTGTTCCCT  
TGAATGCTGATGATCCCAGATATGGTCCACCTGCGTTGCTGCTGCTGGGCTTTGAGCTGGACGAGGCAGTGA

>trans\_c\_2058 AL161556|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 56

>trans\_c\_2059 EF362785|Solanum tuberosum inositol polyphosphate multikinase (IPMK) mRNA, complete cds

>trans c 2060 XM 002323077|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

TCACTATATGAAGATTCCCCAAGATCAATGTTCTTGTTGAGTTAGTTGGAACAGTAGTAGCTTCAAGTGTCT  
ACTTTGGCACAGCATGGTGGCTTCTTACAACGTGTCGACCACATCTGTGATCCAGCCTTGCTACCAGAAGGAAG  
TCCATGGACATGCCCTGGTGATGACGTTTTCTACAATGCATCCATCATATGGGGAGTTGTGCGGGCCACTCAGA  
ATGTTTGGAAGTTGGGTGTTTACCCAGAGATGAACTGGTCTTCTTGTTGGCTTACTTGCCCCAGTCCCTGT  
ATGGTGGCTTCTCGGCAGTCCCCAACCAAAAGTGGATTAGACTTATAAATGTACCCATTATATTTGGAGCTG  
GTTTGGGCATTCCACCAGCTAGGTGAGTAACTATCTGATGTGGGGTGTGTAGGGATTTCTTTAATTTCTAT  
ATCTACAGGAAGTACAAGGGATGGTGGGCAAGGCATAATTATATCTTGTCAGCTGCTTTGGATGCTGGGGTT  
GCTTTCATGGGAGTTCTCATATATTTCAACCTTCAATCAAAGAATATAATAGGTCCAGAATGGTGGGGACTCAG  
CAGCACAGACCGTTGTCCATTGGCCACCTGTCTACTGCACCCGGAATAGTGGTCAAAGGGTGCCCCGTCCAT  
TGAGGTTCTCTGAAATAGAAGCTGGGGTGTCTATAGTCTTCTACTATAAAATGTTGATAGCACATTGGTAG  
AATCTAGTGATAATGTTGTGATCCATTAGTTCATTAATCGAACTTCAAACAGGTCTAGGCATTTTCTTTCAGTTG  
CAATATTATCTTCAAATTTCTGCTATCTTGCTCAAGCTTGATAGAACTTAAATGGGGATAATTCATACCAAAT  
ATTGTATCTGATGAATCAAAATTATCAGTTTCTCAAATAAACAAATAAGCATTGTATGAATTACAACCTACCAG  
TAATCACCACAAGAACAATAACCATTTTTGAAA

>trans\_c\_2061 NM\_179931|Arabidopsis thaliana FACE2 (FARNESYLATED PROTEIN-CONVERTING  
ENZYME 2); endopeptidase (FACE2) mRNA, complete cds

ATCTGAACTTGAGGTTAATCGAAGAAATTGGAAAACAGCGGGAAGGGGACTCGGAAGCATTTCGATTCAAC  
TCGGCGTCCACAGGGCGGCGAGTCGTCGGAAGCAAGGCTAATTCGAACTGTGAGCTCAACGGAAAGCGATT  
GAGATTCATCTTCAGACCCAACTGCGAAGAACATCTTCATTTAATCTAGGTTTGTGAGAAATCGAATAATGG  
AGGAGGAAGATTGTTTGATCTCAAAGCAGTGGCAGTGACGGCTGCACTGCTATGGCTCTGTTCTACGTTGC  
CATTCTCTATGCTCCTGCTTTGTTACTTCGTCTACCACTCCTCCTTCTCTTCAAGTTTACATGATTCGACGGTTCC  
TGTGCGCCTTCATTTCCACCGCCGTTTCGATCTTCGTCTGCGCTCTAATCCTTCCTATAAAGAAAATGGAGTTAT  
CACTGTTATTGGCAGCTTATGGTGTCCGAGCAGATCATATTTGGCAAGCTGTGTTCTTCTCTTTCATTGACTT  
CTTTTATGTACGTTGGATCAATGGTCTTAAAGCTTTGTTATTGGTGGATTCATGGAGAGAACATATGAATCGT  
GGAGGAGACTCCCTTTTGAAGTGTGCCAGAATGTTGTGGACAAGAGTTCTTGATTGGGGGCTATCAACTGTCT  
CAAATATTTTAGCTTGAGAAATTATGTTGTGGCTCCACTAACTGAGGAGTTGGTGTGTTAGAGCGTGCATGAT  
ACCAATTCTTCTATCTGGGGGATTTAAGCCGATCACTGTGATATTTCTCTGCCCCATTCTTTTCAGTCTGGCGCA  
TTTAAACCACTTTATGGAGTACTATAGCAAGCAGAACAATACCTAACCAAAGCGGTTATGGTTGTAGGTCTCC  
AGCTTGGGTATACTGGTGGTATTTGGATCATACGCGAGTTTTCTTTGTGCGAACTGGGCATCTTCTTGCTCC  
CATAGTTGCTCACGTTTTTTGCAACTTAATGG

>trans\_c\_2062 NM\_001072568|Oryza sativa Japonica Group Os12g0123900 (Os12g0123900)  
mRNA, complete cds

AAAATTA AAAAAGAAAAATAAAAAGTTCAGAATCTCTCCCAATCTCAGGCTCTCTCATCAGGAACACAGCAATA  
TTTACATAACATCCAAAAAATTTCTCCAAATAGATCAAATTCGTGCGAGGAAAGGACACTGCTCGGACGACTTT  
CCTCTCAGTTGCGAGAGAAATCCGATACAACGTTGCCTCTGTTCAATAATCGCCTTCAGAGAGATGAAGCAA  
GCGGACGTGCCACGTTGGATTTGTTTCTGTTGTTCTCCTGGCGGCAGCGACATTTAAGCCCATCTCTTCTTTG  
CCATCTACTATTCTGCATTTCTCTGGTCCCCTCACCATCGCCACGGGTTTTCTAACAACATTCTAGAAAAATAT  
GTTGATTATCAGACCATTTCCCAACAGGAGCTGGCGAAGTCTGTTCTAAATGAAGGAGGCTGGTCACAATTC  
TGTGCACGGGAAAGGAAGTAAAGCAGCCTGTGGATCTTGCAATAATCTTTGTCGGTTCCAAGTTGCAGTCAGA  
TTTCACATCAAGCAGGCACGTGGATCCAAATCTTATGGATTTACTTAAGGTCTCTTTCTCAAGGTCTAACTTCTC  
CATGGCCTTTCCCTATGTGGCTGCACCAGAAAGGGGTGCAGTAGAAAAGTTATTGATCTCAGAATTCAAACAA  
TCGTGTGGGCATGACCTCAGAATCAGCAATAGTGCTTTCAGGAGTTGTCCTCTGTTGAGGATGAATCATTCC

AGAAACTTCCGCTGCTGCCACATTCGATTAATGATTATATGGTTTCAAGAATGGAAAAACAAGCCAGAGGGAGA  
GACAGAATTGGTCATTTTCTCTCATGGAGATTTCAAGTCTCCTGAAGAAGGCAATCCATGGACTTCTGAAAGCA  
AACTTTGTGCGGAGATAATGACTTCTGCAGAGCATGTTGGGGCAAAGTATGAAATTCTCTATATATCAGATCC  
CTTAGGTCCATTCGCCATTCCTATGTGGAGCTAG

>trans\_c\_2063 XM\_002984655|Selaginella moellendorffii ubiquitin-conjugating enzyme 19, E2  
(UBC19-1), mRNA

AACCCAAGATTTTTCTCCAGAAAGAAGAAAGTGAAATATCACTGATTTTCACTCATAATTGAATTCAAATCCTTT  
T TAGTCTAAGAAAGACCCTTTTTGCATTTTATCCTCCGTTTGTTAGTACGTAGTTGGATCTAATTCTGGAGGA  
TTTTCTTTCTGGGGAGTGTTATTGATCGTTGTGGATATGGAAGTCAGACCCAATCCGACACCCGAAAACCTCGT  
CGGTGTCGCAGCATCATCATCTAATCAGTTCTTCGTTAAAGCAGCCTGCCGCTTCTCCAATCCTATCGATTCCA  
ACGCTGTTGCGCAGAGGCTGCAAAAGGAGTTGATGTCACTGATGATGAGTGGAGGTGATCTAGGCGTATCAG  
CTTTCCAGATGGTGAGAGCATTTTCACATGGATTGGCACCATTACAGGGTGGGAAAGGAACTACATACGAGG  
GTTTGTCTTACAACTCTCCTTACATTTTCCATGGAGTACCCTTCAAGCCACCCCTGTAAAGTTCGAGACGA  
TGTGCTTCCATCCGAACGTTGATCAATATGGCAACATTTGTCTTGATATTCTTCAGGACAAGTGGTCTTCGGCT  
TATGATTGCAGAACCATCCTTTTGTCTATCCAAAGCCTATTAGGAGAGCCCAACCCAGAGAGTCCCTCAACAG  
CTATGCTGCTGCTCTGTGGAATAACAAGGAAGATTACAGAAAGATGGTCCACAAACAATACTTTTCTGGTGCA  
GTCTTGACGGCTGATTTTGAAAAGCCTAAGTAGAGAACAAACGATTGACACCATATCGTCAGTTTGGCATA  
ATTAAAAATACTGTAAAGCGTCGAGATAAAAAGGTTTCAGACTTCATAACATAGAGAGAGAGAAAAAGAGAGAT  
TATAGTTTACATATGAACTGGATATTTGTACCATTTTATCTGCCCATGGCTGCTATATTGGAAGGATGGACTTTT  
ACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2064 NM\_147837|Arabidopsis thaliana ATP binding / ATP-dependent helicase/ double-  
stranded RNA binding / helicase/ nucleic acid binding (AT5G04895) mRNA, complete cds

AACTCAAGGAAGAACTTGATAAGCTTATTGAAAACAACTTGAGAACCCAGGACTTGATATTCTCAAGGAAGG  
AAAGTACCTTGTTCTTTCTGTTCAAGAGTTGGTGTGCGGGCGACCAATGCGAAGGGAGATTTGTGTTTGGTCGA  
AACAGTAAGAAGCAAGCAGTGCTAAGGACGACAGATTACAAAGGATGGTACCAACCCAAAGAGCTTGCTA  
CAAACCTTGCTAATGAGGGCAGGACATTCCCCTCCAAAGTACAAAACGAAGCACCTCAAGACAAATGAGTTTA  
GGGCACTAGTAGAGTTTAAGGGCATGCAATTTGTGGGTAAGCCTAAGAAAAACAAGCAGCTTGCCGAGAGG  
GATGCTGCTATAGAGTCTCTGGCCTGGTTGACACAAACCTCTGACAACAATGCGAATTCAGACGACGACTCTC  
CTATTGATGTCACCGACAACATGCTAAACTTCTTGAAAACGAAGGCGGTCTAAACGTCGTTGACTTGATAG  
ACAATAAGTAAATGGTTGTACTCTTATTCAAACCAGCAGGTGGATTTACTTCATTTGAAGTATGTATAAGTTCC  
AGGTGAGCTTGATCTCCGTATGTGCATTAGAGTGTGCACAGCTCGATGCTTCTGAGTAGGAAAAGGAGATAC  
GTTGATGTACGGCAAGAGAACAAGTCTTTATCGAAGTGTATACTTTTGGGCATGATATCATGATAACTTA  
TACAATTNGATGGAGCTGGTCTATAGCTCTCAAAATTTAGGAGAATGTGAGCTGGGCCTTGGCATTATGTTTA  
TTACACTTGGAATAAAATTAATTTTGTGTTAGTTTGTCTATTCTGAGAAAGTGATAGATGTGTTCTTT  
GTTTGGGATTTCTTTGGTTGTGAACATATTTGAATTGATATCGGCGATAGAAGTTCATTGTTGCTATATTAC  
AATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2065 Novel Gene

GGGGGGGGGGACAAAACATCATCTTCTTCAATCACACCGTCAATCAACAGGCCCCACCACTAAATCAAATGC  
TCTTGATTTCTGACACGTGGACCCCATATGTTTGTATCCAAAGAAAACCCACACCCAATGACCGTATGCGACA  
TGCGTTGGCTGGCGAATTCTGATTGGTCTTCTTCATGTGTAGCTCTCTCACTTCAGTATCCTTCGTCGCGATT  
CTAATTCTATTATTTCAATTTGTGCTTCGCTTCTTCAATGGCCGCTCAAATTTTATTCTATCCTCTCTCTCTTAA

TCGCTCCTTCGAACATTCTGCTTCTCCACAATGGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCGCCATTGATG  
GAACCTTGCATCGGAGGATGATCGGATCGAGGAGGGAGAAGATCTTCGTGATGAAGAAGTAGGAGGTTTT  
TCGTATTCTTCATGTGGATGTTTCTCGGATTCGGATCCAGACTGTCTCGTGTTGAGGCGGGTATTTACCGCT  
GCAATCGAATCGGAAGAGCGAAGAAGTGAAGCAGCAGAGTTGGATGATGAGGAAGGTGAAGAGATTGAAC  
GAGATTATAAAAGCTATGGCAGGGCGGAAGTGGAGAAGTTTGATTAATGGAATAATTAACAAGAGACGGAG  
TGTGAGGTTTCAGTACGATCCGAGGAGTTATGCTCTGAATTTTGACGAAGGGATGGAGGAAGAAGGACGCCG  
TAGTCTCCAGCCGATCGGACTGGGGATTGGAATGAACAGAAACCAAATATGATAGATATGCTTATTGGCCGG  
TTCGACACGTTCCATCTGTTGTTGTTCTTCATCATCATCTTCTTCTTCTTCCATTGTCATTTTTTATGTACATTGC  
TTAATTAATAATTAGTTGTGCTAATTCTTTACGTTTTCACTTAGATATCCATTCAATATATAAATATTTCTTCTCC  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2066 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TTCCTGATTCATTTCTAAATCTAATAGATACGTCATTAAATCAATTAATATCATCTATCAGAATCTAAGAGAGTG  
CCATATGTGTATTTCTTTGTCTTCATATACCATATAAGGTACGGGCAATATAGGAAAAATGTAGCATTAACTAA  
TTTGCAATTGTGGATACATATGGATCCTTAGCATACTAAAACGACTGCTATTATTGGTATCAAACCAATACCGA  
TTCATACAAGCTAAATCTTCTAATCGATAATTGGGCCAAAGAAAGAACTTTAATTTTTTTAGTTGATTTTGATAT  
CTATCAAGATGTTTGCTTGTTTTATCTAAAACCTTGATCATCTGTTTTCACCTATTTCCATTGTAAAATGCTGTAT  
TTCTCTGGATATCATTTTTATTCCCAGAATTGAAACAAATTAGAATTCTAACTCTCTACGACCTCTAGGGGATA  
AGATATTTTCCGGAACAAGCAAATCATAATAATTGCTGGTCTATTTTCAGTCATTTTTTGAGGTATTGCAATGG  
ATTGAGCAAACTCCTCTTATAAGGATAGCCTTTTTCTTGATATTTTTGATTAAATTGGTACTTATTCTTATGAAC  
TAATGAAATACCTATGGTTTGAGACATAATAAATTTTCCATCATTTTTTACAGACAGACGAATGGGTTCTATAA  
TAAGTATTCCAGTTCTAATTAATTCTGAAAGAATCAAGCCCTTGAAGATAGCAGAATATCCAGACTCAGGTTG  
CCATTTTGAATAGAGGATATATAAATTTGTTTGGGATCTAGCAGTCTAACCAGGAGACAACATATTTTGATGTT  
ATTGAAAATTTTTTTATTTACGTATGCCGAACCATCCCATCTGCATTGAACACGAAAATATTTTTTTAGTAACAA  
CTCAAACTCCTTGCTAATCTTTTTCGCGTATTGGTTTTGATTATACGTTTTCTCCTATCTGCTACCGCGTGCGAC  
CTCCACGAGCATTACGT

>trans\_c\_2067 HM449081|Gossypium hirsutum high mobility group box 1 protein mRNA, complete cds

AAACCGACTCCCTTCATATCCCTCTCTCGCTCCCTCTTCACTTCAAAGGGCTTTTCTTCTTTCCACATAAACA  
CACGCACTCGAAGCCAATCTCAAAACCGCATCACACGAACCAAATAAGCCTAACCAATTTTTTCTCCTCATAT  
TTCACCTCTCACACTCTTTCCTTATCTTCTTCTTCCCCCAAACCTAGAGTTTTACAGGATTCATCATGAAGGGCG  
GTAAATCCAAGGGGGCGCCTAAAAAGACCGATACCAAGTTGAAGAGCAAAAGTGCCGGAGCTAGTAAGAAA  
TCAGCGAAGGCTGCAAAGGATCCTAACAAGCCGAAGAGGCCTGCTAGTGCTTTCTCGTTTTCATGGAGGAGT  
TCAGGAAGCAATACAAGAAGGAACATCCTAACAACAAATCCGTCGCCGCCGTTGGAAAGGCTGGTGGTGATA  
AATGGAAGTCAATGTCCGACGCTGAGAAAGCACCTTACATAAACAAGGCTGAGAAAAGGAAGACTGAGTACA  
ACAAGAGCATGCAGGCTTATAATAAGAGAATTGCGGAGGGAGGTAATGGAGCCGAAGAAGAAGAATCAGAT  
AAATCCAAATCAGAAGTCAATGATGACGATGAAGATGATGATGAGAGTGGAGAGGACGAAGATGATGAGTA  
AATGTTTAGGAGACGAGGAATGATGTGGTGGGAAGAACAAGCGTTTTAACTCCTTCATAGTTCCGAGCAA  
AGACTCAGCAATTTAGATTTTTCTTTATTATGTCTTGGATAAATAGCTACTTCTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTG  
GTAATTAGGATAGAATGGGAGAAAAGAAATCAAAAAAAAAAAGGAAGGTTCTGTGTTGATGTTAGATTCTTA  
AGTTGACATGGATATGTATTCAAGGAAAAATCTGTGTTAGTAATTGCACAATGATTCAGTTTTTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2068 NM\_202194|Arabidopsis thaliana interferon-related developmental regulator family protein / IFRD protein family (SAT32) mRNA, complete cds

GCTTTTGGCACCGTTGAGCGTTTTAAAGGTCGTGAACCTAATAGGTTATATCTTTTATATTTTCTATTTCTATA  
AAATCCCTAATTTGTTCTTCTTTGAACTTTCTTTCTTCATTCTTCCCCTATATTCCAGAATTTTGATGGCGATA  
TTTTCTTCAATTCATCCAAGTCTTGCTCGATTCTCGTTTCAATTCCTTTAGATTTTCGTTTCATCTTTTTCTACGAA  
GCTTTTTCGTTCTCAGATTTTACGAACCTTGTAGTTCTAATTGACGTCTATTCGAGGGAGGAGCCACCGTGA  
TCTCTTCTAATGGGAAGACGTAAAACCTCAGCGAAAAAATTCTCCAACGGTGGATAGTGATGATAGTAGTG  
TGAGTTCTTCATCGACTATGCGGTCCGATCGAATGTCTGTTGTAGGGATTGAAGATTTTCATTTTGACAAAGAT  
ACTTTACTTGACCAAGCTCTTGATGCTTTATACGAGAAGAGGGGTTCCACGAGAGAGAAAGCGCTTGCATCGA  
TTATTGAAAATCTTGGCAACAATTTGCAACATCAGTTCGTGGAAAAGAAATTTGCTACTCTGCTTCATCAGTGT  
CTGAATTGTATCAAAAAGGGTTCCAGCAAGGAAATATCCTTGGCTTGTGCTATTGGATTATTGGCTTTAAC  
TGTGGGCGAGGGAGACAATGCACGGGAAATATTGTCAGAATCAATCCCTCAATTTCTCAAGCTCTCAAATCT  
GGCTCGGAGTCCTCAAAGATATCGCTGCTCGAATGCTTGGCAATTATCACTTTTGTTGGTGGAATGACGTGG  
AAGAAATTGAACGGTCATTACAGCTCATGTGGCAAGTAGTCATTCCCAAGCTAGGACAAAATGTAGTTGCGGT  
CAGGCAATCAGCAGCTATGATAACAGCTATGGTTTCTGCATGGTCCTTTGTCCTTACAACCTATGGACGGGTGA  
AACTTAATTCCAAGATTGGCAAGAAT

>trans\_c\_2069 NM\_113616|Arabidopsis thaliana YSL6 (YELLOW STRIPE LIKE 6); oligopeptide transporter (YSL6) mRNA, complete cds

ATGTTGGCCTAGCAGCAATATCGACAGCAACAATGCCAATGATCTTCCCACCCTTGAAGTGGTATTTGGTTCTT  
GGCGCTTATGTTGTTGCACCTGCCCTTGCTTTCTGCAACTCTACGGCACCGGTCTTACTGACTGGAATCTATCA  
TCAACTTATGGGAAGCTTGGTCTTTTTCTATTTGCTTCTTTAGTCGGAGACAATGGCGGAGTTATTGCTGGACT  
AGCAGCTTGCGGTGTTATGATGTCAATTGTTTCAACAGCTGCTGATCTTATGCAAGACTTCAAGACGGGTTATC  
TTACTCTTCTTCAGCCAAGTCTATGTTTGTAAGTCAGCTAGTAGGGACAGCCATGGGCTGTGTGATTGCTCCC  
CTTACATTTTGGTTATTTTGGAGCGCTTTTGATATCGGGTTACCTGATAGTCCATACAAAGCCCCTTATGCTGTA  
ATATTTAGAGAAATGGCCATCCTAGGTGTTGAGGGTTTTTCAGAGCTCCCCAAGCATTGTTTGGCCATGTGTTG  
TGGGTTTTTGTGGCAGCATTCTTAGTTAACCTTTTGAGGGATGTGGTTCCAAAGAAAAATCGCACAAATTCATCC  
CGATTCCGATGGCCATGGCTGTTCCATTTTACATTGGAGCTTACTTTGCTATCGATATGTTTGTGGGACTGTCA  
TCCTCTTTATATGGGAGCGGATTAATCGGAAGGATGCAGAGGATTATGCCGGTGCAGTTGCGTCGGGTTTGA  
TATGTGGCGACGGAATATGGACAATTCCTTCAGCAGTGCTATCAATTTTCAGGATTAATCCTCCCATTTCATG  
TCATTCAACCCTACAGTTGCCTGAGCTACATCATTGAAAGCTAGCTCACATTGTACACAATGAAATGAAACAAA  
GCTAGTGATTATATTTTACTTTGTATATACAGTTCCTCGCCCTCAAATTCTAAGATAGTCTTTGCTTTCGCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2070 NM\_114521|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-containing protein / clathrin assembly protein-related (AT3G46540) mRNA, complete cds

ATGATTTGAAGAAACAAGCTTCTTCTTTTTCAAAGAGAAAATCAAGACTGCTAGATTAGCCCTCACTGATGTC  
ACCTCTGCTGAATTATTGACTGAAGAAGCCATTAACGGGAACCCTGATGCAAGAACCTTGAGTTCAATTTCAA  
GGCAGCTTTTGAGGTTGATGATTATTGGAGAATTGTAGCAATTCTTCATAAAAGGCAGATTGGTGAAATTTG  
AAAAGAAGAATTGGAGAAATTCCTACAACCTCTCATCATTCTTGAACATCTCTTGACTCATGGACCAGAGAGT  
GTAGCAAAGGAATTTGAGAGCGAAAAACATGTTATTACCCAAATGGCTAACTTCCAATATGTCGATGAAAAAG  
GGTTCAATTGGGGCATTTCAGTTAGAAAGAGATCAGAGAGAATATTGAATCTACTTGACAAAGGATCTCTTCT  
CAAGAATGAGAGAGAGAAGGCAAGAAAATTGACCAGAGAGATTCTTGATTTGGTAGCTTCTCCATGAGATC  
AAATTCTCAAGGAATTTTCAACATCCTTCTTCAACCATTGCAAGATATGGAAAAGTGAATTCCAACTTCAACA

GTCTTGACAATAATATTCTTCACCAAGACGGTCTGCGGTAGATGGCCAGAAGATCAAAATGCTCGAAACTCG  
AGAAGGCGTGGAAGACAACCTTTTGGTTGGAATAACAAGGAAGAGTTGCTTAGATGGGATGATGATGGTGT  
GTGCAAGGTGAAACCCGTTCTGAGTGGTAAGAGGGAGGAAGAGGAGTTGAAGAATGGAATCTCTAGTGATG  
GTTACGATCATCCATTCATCGACGACGAACTCAAAACGAATTTCTCATTGCTTCGAGATAGGGAGAGATAAA  
GAGGAATTGATGATTTGTTTTGAATTCATTCATGAATAAAATGTCTTATACTTATACGTAAGTACTGACTAGAGA  
TTAACATCGTATACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2071 NM\_001072104|Oryza sativa Japonica Group Os11g0113200 (Os11g0113200)  
mRNA, complete cds

ATCAGCAATACACAGCTTTCTGGGCAAGTTGTAGGCTCACAGTTATCTGGGCAAGTTTCTGGAGCCCAGTTAC  
CTGGACAGTTATCATCGACACAGTCATATGATAATCCTATTAATTTTGGTCTGCCATCTCCATTTACCATATCCA  
CGTATCCTAAGGGTCTGCCAGTAGTAGTATAGGTTTTTCACCTCTAATTGAACCTCAATTTTCTCATGTTGCTG  
AAGGGTCTCATGAATTTGTGCCTGAAGAACCAGAGCTTTTTGAAGATCCTTGTTACATACCTGATGTTGTATCC  
TTGTTGGGTCTGTCTCAGAGTCGCTTGATGATTTTCGGTTGGATTTAGGAACTGGCTCTGTATCAGAAATGGA  
AAGACCACGGACTCTAAAACTGCTTCTTCGGAATTAACAAACCATCTCCAATCGAGTCACCTTTATCACGGG  
AAAAGCATAATTGTTCTAATAATTTCCCCAGCACCCCCAAAGCATTGGACCTGAGAAGTCTCCCAAGGATGA  
AATGAATGCAAATGAGAAGGGAACATGGCAGATGTGGAATAGTTCTCCCTTGGCCAGGATGGTTTAGGTTT  
AGTAGGTGGGCCAGCCGGCTGGATTCTGCTGAATCTAATAGACCAAATATGGACGATTTTTTCCACCCC  
CCTCAGAAAACTATCCACCAACATTCATTAAAGAGGATCCAGTTTTGTCTGGCACACTTCCTTCGCAGAATGT  
TTTCTTGGAATGGCCAAAGTGTAGGGGCATTTAACCAAGTTATGAGTTGTGATCATGATCCATGGTTAAAG  
AAGCCTTTCTATCCGCCATTGTCTAGAAGTGAGAACAATTTCACTGTTATGCCTCAGGAAGAACTGTTTCAGAA  
TGAAATGATGTATGGTAGCCCCAACAGATCTTCCACTGGTCATCCATTTGAGCTGCCTGCAACTAGCTGTTGGT  
CAAAAGAATGGGAAGCACAAAGGGTCAGGGATGG

>trans\_c\_2072 DQ887085|Arachis hypogaea ubiquitin carrier-like protein mRNA, complete cds

GCGATTGGCAAAGTTCTTCGGTCTTAACATTGTGAAATTCCACAAAAAAATCTGAGGGTAAAGAGACCGAC  
GAACAACCACCGGTTTCTGGGGTCGCCATCGATCTGATTTCTAAGCTTATTTCCCTTTCACAGCTCTTCCGGC  
CGATCCTGATCTTCATTTATTTGTCGATCGCAAACCCTTTTGAGTTCTCAAGATCATGGCTTCCAAGCGTATCTT  
AAAGGAACTTAAGGATTTACAGAAGGATCCACCCACATCTTGCAGTGCTGGCCCCGTAGCTGAAGATATGTTT  
CATTGGCAAGCGACCATTATGGGACCATCTGATAGTCCTTATTCAGGAGGTGTTTTTCTGTCAATATTCATTTT  
CCTCCAGATTATCCTTTCAAACCTCCAAGGTTGCTTTTAGGACCAAAGTGTTCACCCCAATATCAATAGCAAT  
GGAAGCATTTGTCTTGACATCCTGAAAGAACAGTGAGCCCCGCGCTTACAATTTCTAAGGTACTGCTCTCCAT  
ATGCTCATTGCTGACTGATCCAAACCCAGACGACCCTCTGTACCAGAGATCGCACACATGTACAAGACCGAC  
CGAGCCAAGTATGAAGCGAGTGACGAGCTGGACTCAGAAATATGCAATGGGTTGAGACGTTGTTGTAGCT  
TGATGTTGTTGACGGATGATGCAATGGTGATATCTTTGGCATGGCATCCTTCTGTATTGCCTCGTTTCTTCCAG  
GGCTGTGTAGGTATTTTAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAATATAAAGGAAAGAAAAAGAGGAA  
GTCTTATGATGGTTTTCCCTTTGCCACTGATTTATGAATGAAAATTCAAGCAGGTTGTCTAAGGTTTGTCAA  
ATTAAGTGGATTCGACATTCCTCTTTGTGGGGATTTGATGCTAGCTGTTATTTATCTCATAGACAACACATTGTT  
CTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2073 NM\_117035|Arabidopsis thaliana oxidoreductase family protein (AT4G09670)  
mRNA, complete cds

ATTATCTCCATCATTCTTTCCACTTTCCACCAATCTCCAAAGCTCCGGGCATGGCCGACACAATCATCCGTTTCG  
GGATCATCGGCGCCGCCGACATTGCTCGGAAAGTTTCTCGAGCTATTGCCCTTGCTCCCAACGCCACTCTTTCC



GCAATAGGCAGTCGTTCACTGGAAAAGGCCTCAAAATTTGCATCCGATAATGGCTTTAGTCCTCATGTCAAAA  
TCTATGGTTCTTACGAAGCTGTACTCGATGACCCCGAAATCGACGCCGTCTATGTCCCTCTCCGACTAGTCTTC  
ACTTGCGCTGGGCCGTTCTCGCCGCCGAGAAGAAGAAGCACTTGCTCCTCGAGAAGCCTGTGGCTCTTAACGT  
AGCTGAGTTTGACAAGATTCTCGAAGCCTGTGAGGCCAATGGAGTTCAGTTCATGGATGGTACCATGTGGAT  
GCACAACCCTCGTACGGCCAAGATGAAGGAATTTCTTTTGATGCTGACAAATTTGGCCAGCTCAAAGCGGTA  
AACAGTGTCTTTCTTTTGCTGCTGATGCTGACTTCTTAGCTAATGATATTCGCGTGAAACCCGACCTTGATGGT  
CTTGGTGCTTTAGGTGATGCCGGATGGTACTGTATTCTTCAATCCTTTTGGCCGCAACTACGAAGTGCCTAA  
AAGAGTGATTGCCTTGCCTAATCCTGTTTTGAACGAATTGGGCGTGATTTTATCATGTGGATGCTCCCTTCTTT  
GGGAGGATGGAAAAGTAGCAACCTTCCATTGCTCTTTCTTGTCAAATTTGACCATGGATGTTACTGCCATAGG  
AACAAATGGGACATTACATCTTAATGATTTTCATCATACCTTACGTAGAGAAAGAGGCCTATTTCTCCACCTNGT  
TCAAATCCGGGGTCACTGAACTCGTGACTGGTCGGCAACCTCTACCAAGCAAACATATCGTTCCTACTGATCTT  
CCTCAAGAGGCTCACATGGTGAGAGAATTTT

>trans\_c\_2074 AY074632|Arabidopsis thaliana At2g44600/F16B22.9 mRNA, complete cds

AAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAATCTCTTTTATGTATAAAATAATTACAATATCCCGACCGGCGTCTCTGTCTG  
TCCAAAATTTTGATTTATTCTTCAACGAAGTTTCTTCTTCTGCTTCCTTTTCTCGTTTTTCATCATCCAAAACCTC  
CGATTGAAAAAGATTCTCCCGCATCCGCCATTGAAACACCTTCATCCCTATTCGGTTTTTGCCGTTTCATCAGTAA  
ATGAGGTGCAAGAAGCACCACTCCGACTTCACCAGCACCGTCGGCGTCTGTGCTTCCTGTTTACGGGAGCGTC  
TTTTGTCTATCATAGCCGCTCAGGCACAGGCCGAAAAGAATCAATCTCAACTCACTTCCGGCGGTATTGCTCC  
GCGGATGATCCTCTTCCGCCACCGCTTCTCTTTCTTCATTCCGTCTCTCCTCACGCTACGAAATCGAATGAAGAT  
TTATGGACTAATCTCGATCGCGAAGGTAATCTACGCTCTCGTCATCAGAGGTTCTACAGTACTCCACAAATTGG  
ACCTAATTGTAGAACGAACAACAGTGCGAACACTACGTTCTGTCCTACTACAGGTTCTTTGATCGGAAACAGAGA  
AGTAAGAAATTTCTGCTTTGGTCTGAAGCTTTTAGGTCTAGATCCGAGAAATTCGAGAAGAATCACAAAAGTC  
CTTCTCGAGAATCGCATGGTCCAGGTTCTTCTTCTTCATCGCCGTCGTGGTTCTCGACGATCTTCCACGGCCGTC  
GGATTAAGCGACAATCAAGCCTTACGCCAGTCGAGGAATCGATCCCCGTTGCCGAACGGAGGCATTGCCAAG  
CGATTGAACGCGGAATGTCTCCAGTAAGAGTATCTGACTCGGATGAAGAATGTGAAGGTCCTGATCGTTCTCC  
TATTTCTCAAAGTTTCAACTGTCTCCAATGGCGGCTCCTGAATCGGCGAAACGCGGGAGATTAGGGCACAAAT  
CAAACGTTTTCGGGATTTGCATTCTGCTTG

>trans\_c\_2075 NM\_121124|Arabidopsis thaliana CBS domain-containing protein (AT5G10860)  
mRNA, complete cds

AGAGTGAGATAAAATCGGGTCTCGCAGTTCATTCCATCAGCTTCGCTTCCCTTCATTTTCATCTTCATCTTCATC  
TTCCTCATCTTCATCTCCATCTTCACCTTCCTTTAGGTTTCATTCTCCTAACCTTCTAACTCTTCTGCTTCTCAACT  
TTCTTCTTCAACTCCTTCATTTTTTCTTCCGGATCTTCCTCACTCAGGTAAAGATGCAAGGTGCTGTGCGATCATT  
TCTATCACATGGAAACGTTGTGAAAAGTCTGTTCTGCAACAAATTCGTGTAGCAAACCCCATATGAGGCCT  
GCAATGCTCTCACGTTTTTCAACATCAGCTAGTTCGCAACATTGAAGAGCATGGCTTTGAAAGCACTACCAT  
TGATGATATCTTGAAAGCTAAAGGCAAAAGTGCCGATGGATCTTGGCTTTGGTGCAACACGGAGGACTCTGTT  
TATGATGCTGTTTCAAGTCGATGACTCAGCACAATGTTGGAGCCTTGGTGGTGGTTAAACCTGCGGAGCAAAATT  
CAATAGCTGGTATTATAACAGAGAGAGATTATCTGAGAAAGATTATAGTGCAAGGCAGATCTTCGAAGTCTAC  
CAAAGTTGGGGATATTATGACTGAGGAGAACAACTTATCACTGTGACACCTGACACCAAGGTCTTGCGGGCT  
ATGCAACTTATGACTGACAACAGAATCAGGCACATACCCGTCATTGATGACAAGGGCATGAAAGGCATGGTG  
TCAATCGGGGATGTTGTTGCGGCTGTGGTGAGCGAGCATAGGGAGGAGCTAGATCGCCTGAATGCTTACATT  
CAGGGAGGTTATTAAGTTGGTTCTGCTGACTTTGGTTGCTTGGTGTATGATTGATAAACCAGAGCACTTCAG

CTCTTGACATATGATGATGATGATGATAAGCTTGGTATGCGCACTCTCTTATTAATATGGTTGTGCTTCATTTT  
CATGTTGTTGGTAGATGTTATTGCAGTCAG

>trans\_c\_2076 NM\_001061570|Oryza sativa Japonica Group Os05g0255600 (Os05g0255600)  
mRNA, complete cds

GGTCTTTCATCCGCTCGGACTGCTGCCACCGTCGTCTTCATTTCTCTCTCACTCCACAGTCCTTCTGGCGGTTTC  
CGCTCGCCGGCAGATTCTACTGAAATTTGTATTTCTTCTCTCAGATCCTTTCATTTTGGATCTTTTCGAGACAC  
AGGGTCGAGATGGATCCGAACTCCGTTAAGTCCACCCTTTCAAATTTAGCATTTGGAAACGTAATGGCTGCTG  
CAGCTCGCGATTATCAAAAGGAATTGCTTACTCAAGGGAAGGCTCAGGCATCAAACTCTAACAACGAGGAAG  
TTGATCTTGACGAGTTGATGGATGATCCAGAGCTGGAAAAATTGCATGCAGATAGAATTGCAGCCCTGAAGA  
AGGAAGCTGAGAAGAGAGAAGCAATGAAGAGACAAGGGCATGGGGAATACAGAGAAATAACAGAGGGAG  
ATTTTTTGGGAGAAGTCACTGGAAGTGAAAAAGTGATTTGCCACTTCTATCATCACGAATTCTATCGGTGCAA  
GATTGTGGATAAGCATTTGAAGACTCTTGACCAAAACATTTAGACACAAAATTCATCAAGCTTGATGCGGAG  
AATGCACCCTTCTTTGTTACTAACTTGAATCAAACTTTGCCTTGCGTTGTTCTCTTCAGGAAAGGCATTGCT  
ACAGATAGGCTTGTCGGGTTCCAAGATTTAGGTGGAAAAGATGATTTCAGTACAAAGACATTGGAAATTTTTT  
TGACAAAGAAAGGTATCATCAGTGAGAAAAAGGATGAAGAGGAAGACGAGTACGATGAAAGCAGGCGAAG  
GTCAGTGAGATCTTCTATCAATATTGATTCCGACTCAGACTAGGGAACAGAGTTTGCCATTCTCCATTGAATTA  
CAAAAAACATGTTGAAGTATTTTGTGAGTGAAGTCCAAGACTGAACATATTTTACAAGCTATTGACATTGAAGT  
TAAACCGAAAAA

>trans\_c\_2077 XM\_002867449|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata band 7 family protein, mRNA

GGATATCTTTGCCTCTTCTCAAGGCTTCTTCGGCTGCAAGAAAGAAAAAGTGGAGCTGGGGGGTCTAACTT  
CTTCTTCTAAAACCTCCAGGTTTTACATTTACTAGGGCTTTACTTCTGTCTTCTCATTGCTCCAGACATGATG  
AATTGTTTCAACCCCAATGCTTCTTCCACCCTTAGATTTCTCCAATTCATTGCCCATTCCAGACATCTCTCCACCC  
TTTCCCATTCACCTCGACGCGTTCTTCTTCTTCTTCTCCACAACCCTTTTTCTCTCAACCCTCTTCTCTCATCT  
CACATCCTCTCTTCTGCCACCACCATACGCTATCTTCGCACTGGTCGAGATCCCAACATCAGCTATGAGATTA  
CTCCTCCTATCAACTGGGGTATTGCAATTGTCCCCGAAAAGAAGGCTTATGTGATCGAACGATTTGGTAAGTAT  
GTGAAGACTCTCCCCTCGGGAATTCATTTCTGATTCTTTTGTGATCGGATTGCCTATGTGCATTCCTTGAAG  
GAGGAAGCTATTCTATTCCGGACCAGTCTGCTATCACAAGGATAATGTCAGCATTTTGTAGATGGGGTGC  
TTTATGTTAAGATAGTGGACCCCAAGCTGGCATCCTATGGAGTTGAGAATCCCATATACGCTGTTATTGAGCTC  
GCTCAGACTACAATGCGTAGCGAGCTTGGGAAGATAACTCTTGACAAAACATTTGAGGAGAGAGACACGCTG  
AATGAGAAGATAGTGGAGTCTATCAACGTAGCTGCAAGGGACTGGGGACTGCAATGCCTTCGATATGAAATA  
AGGGATATTTCTCCACCTCGCGGGGTGAGGGCCGCTATGGAGATGCAAGCTGAAGCAGAACGTAAAAAGAG  
AGCTCAAGTTCTTGAGTCTGAAGGAGAAAGACAGGCCAACATCAATATTGCTGATGGTAGGAAGAATGCAGT  
TATATTAGAATCTGAAGCTGCAAAAATGG

>trans\_c\_2078 NM\_001185557|Oryza sativa Japonica Group Os01g0652800 (Os01g0652800)  
mRNA, complete cds

ATCCAATAACGTTTCTCACAAAACCTCTCTATCTCTCTTTCTTTCTCTCTTTCTGTCTTTCCATTATGAACTC  
CACAGCAATGAAGTTCATCAGGGAAAAACTACACCCTTTACAAAACATTAGCCATAGTTTTTAGTTTAGTGAT  
TCTGACAGTGATTCTCTGTTATACAATCTCATAAACTATTACTGTTTTCTTCTCAACAATTCACCAAAAATCT  
CCATCAAGTCCATACTCATCAAGCAGTAGTGGTAATGGAAACAATGGAGTTTTTGAGAAGTTGTCAAATTATG  
GGAAAGAAGAAGAAGAAGCAGAATGTGATATGTTCTAGGAGAATGGATACCAAATCCAAATGCTCCATATT  
ATTCAAGCTCGTCATGTTGGCAATTCATGAACATCAAACTGTATGAAATATGGAAGACCAGATGGGGGTTT

TATGCAATGGAGATGGAAGCCAGATGGTTGTGAACTTCCAATCTTTAATCCTTCTCAGTTTCTTGAGATTATGA  
GAGATAAATCTTTGGCTTTTGTGGTGA CTCTGTTGGAAGAAACCAAATGCAATCTTTGATATGCCTTCTTTCA  
AGGGTGGAATATCCAGTAGACGAGTCATACACGGCAGACGAGAATTTCAAGAGATGGAAATACAAAACCTAC  
AACTTCACAATGGCCAGTTTCTGGACACCACATCTAATCAAAGCCAATATGGGAGATGCCAACGGTCTCTACTA  
AAACCGGTCTCTTCAACCTCTACTTAGACGAACATGACCAAGAATGGACAACCTCAAATCGACGAATTGCGACTA  
CATCATCATCTCTGCTGGCCATTGGTTCTTCCGTCCGATGGTTTTCTACGAAAACACCGCATTGTTGGTTGCCA  
TTACTGCCTCCTCCCAAACGTCACTGATCTTGAATGTACTATGGTTACCGAAAATCCTTCCGAACAGTATTCAA  
AACCATAAACAGGTTAAAGAATTTCCAG

>trans\_c\_2079 DQ250022|*Petunia integrifolia* subsp. *inflata* S-RNase-binding protein (SBP1) mRNA,  
complete cds

AAAATTTGCAGCAGTGGCGTATTGGTGTGACAAGCTATCTACTTGATCTCCACCTTCTTTCTTTCTCTTCTTCTT  
CCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT  
ACAACACTATCAATCTCAACACCAACAGCAACACCAATCTATATCTTTTCGCAACTTGACACGGCCGATGGTC  
ATGTTTCTCAACCGATCTCTATTTCAACTCCTTAATTTGCAGGATCATTCCCAGCATCCTCCCTACGTTCTCTCC  
ATGTACAGCCCCTGGTCAGGATGCTAGTGATGGTGTAGCAGATTTACACTGGATGTATGGCATTGAACCCAAG  
AAGAAGAGATTGAAAGAGCAAGATCTTTTGAGAATAATTCCCAAATATCATCCATTGATTTCTTGAACAACG  
TCCAGTTTCTACAGGACTGGGTTTATCTCTTGACAACACTCGTATGGCTTCGACCGGAGACTCTCCTTTGGTTTC  
TCTTGTAGGTGATGACATCGATCGTGAATTGCAGCAACAGGACGAAGAAATTGAGAAGTTCCTCAAAGTTCA  
GGGTGATAGGCTACGGCATTCCATATTAGAGAAGATCCAAGCGAATCAACTCCAAACTCTCTCGATTGTAGAG  
GAAAAGATAATTAAGGCTACGAGAAAAAGAAAGCTGAAGTGGAGTGATTAACAAGAAAAACATTGAGCT  
AGAACAGCGAATGGAGCAGCTTTCAGTGGAAGCTGGTGCTTGGCAGCAGCGTGCTAGGTATAACGAGAACA  
TGATCACAGCCCTGAAGTTTAATCTTCAGCAGGTGTATGCTCAAAGCAGGGATAGCAAGGAAGGATGCGGGG  
ACAGCGAGGTTGAAGACACTGCATCGTGCTGCAATGGCCGGACGCTTGATTTTCAACTGCTTCGTAGCACAGC  
AATGATGTGAAAGAAGTGATGTACTGTAAGGCTT

>trans\_c\_2080 FJ976682|*Nicotiana tabacum* cultivar petit havana SR1 SM10-2 (DCN1-2) mRNA,  
complete cds

ACAGAGAGAGAGATAGAGCTTCCAGGAACAACCTAGAAATTCTCTCTCGACGTTCTCCGGAATTGGAGAAGC  
CATTCTCGCCCTTCAGTTTACCCTCCGATTACCATTTCTCTGCGCTAAGCTTGTACCCACCACCTCCATAATGCAT  
AAATTAAGTAGAGGACATCGAGATAAACTCCATCAATTTATGGCTATAACTGGTACAAGTGAAAAGGTTGCTC  
ATCAGGCCTTGAAGGCTAGCGATTGGCATCTCGAAGGAGCTTTTGATGTGTTTTATAGTCAACCCCAAATTAA  
AGCATTACCCGACTCTAGACATTTGGAAGAGCTCTATAACAGATATAAAGACTCATATGTTGATATGATATTGG  
CTGATGGTATCTCACTGCTCTGCGATGACCTTCAGGTGGATCCTCAAGATATTGTTATGTTGGTTGTTTCTTGG  
CATATGAAGGCAAACACAATGTGTGAGTTTTCAAACAGGAGTTTATAGGTGGATTACAAGCACTAGGGATA  
GATTCTCTGGAGAGGTTCCGAGAAAGGATTCCATATATGCGTTCTGAGTTGAAAGATGACCAAAAGTTCCGTG  
AGATTTACAACCTTCGATTTGGTTGGGCAAAAGAAAAGGGGCAAAAATCTTTAGCATTGGACACCGCAATTGG  
AATGTGGCAGTTACTATTTGCTGAAAAGCAGTGGCTCCTGGTTGACCACTGGTGTGAGTTCTTGCAGGCTCGG  
CATAATAAAGCTATTTCTAGGGACACATGGTCTCAACTTCTGGAGTTTGCAAGGACCGTGGAGCCTACACTAT  
CAAATTATGATGCCGAAGGTGCTTGGCCATACCTTATCGATGAATTTGTTGAATACCTGAATGAGAATGGCAT  
AATCCAGAGTAGTAGTCAGTCAAATGATTCGAGTCAAATAAGGTGATATGCTACTGCAACTGGTTTGGGATTT  
ATTCATATTTATGTTGGTGTGATTTGAATACCCCTCTC

>trans\_c\_2081 AY366397|*Nicotiana tabacum* ntp101 (pntp101) mRNA, complete cds

GTGGAGAAGCAAAGCTTAGCAAGCCAGATTCCGATATGATTGCCAACACACGGAGGACCAATCGTCCATCG  
TGGGATCAGACTGCTGATGGAGATGTATCCTATGTCGTGTATAGTCATTGGCAGAGGAGAAAGAAAATGTGG  
AATATTCACCACGGGGGATGAAGTGGTGGAAAGAAAGGAATGGTTTATATAGCGGTAAGGTTTTATCGATAGG  
TATTGTATGCAGGGGTTGGCTGCTCTTTTGACCGCCAATGGAGTGAAATCCGGAACGAGGTGTTGTTATATTT  
TCACTTGGAAGTACTGCAGATTCGGAGGACGAGAAGCTAGCTGCAGGCTGCTACATATGGGGGGGGGGGGA  
GTGGAAGTGGTGAAGGCTTTCTGAGCTCATGAATAGAGTGAGGAATGAATATGTTAATGGAATTGTTGGAC  
TTGGAAATGAAAATGTGGGTTAGCAGAAAATACTGTTCTGTGTTTTTAAGACGAAACAAATATTTCTACGTAAT  
AATGTTTGGTTCGGTTCATTTTCGGGGCCTTTCCCTGTCTCCTGAATATCAAACCATGTGAGTCAGCTTCAGTTG  
CATTTTTGTACATAAGAAATATGATGCTGTCTTTTTCCACCAACTGATTGCAGGGGTCTCATTTTGTGTTGGG  
TTGTCAATGTCCATGGGGGAGGAAGAAGCTCAAAACACCTTCCATCTTTCCAATGTAATGTAATATTTATGAT  
TATGTATCGATTTGGATTTTGGAGATACTGCTGCGGCTTTCTCATTCTGGTCAATGGGTGTAAGTACTAGTAGGATT  
TTTACGTCTTTTTAGAATAATGTGGGTTGAATGTTGACTGGATGTTTTGAATTTTAATGCAATGTGTAATAG  
ACGTATATTAGACTGGTGAATTTGAACTGATTTTGATGGCTTGTCTTCTGTAATCATTGTAAATAGCAGTGCTC  
AGATTTTCTAGTTTCAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2082 XM\_002525997|Ricinus communis Phospholipase A22, mRNA

AGGGCTTGCGAATTGGGATAATCTTGAAAGGAACCACTAATTTTCAATCTTCACGGAACCGAATTATCTCGGG  
AAATTTTTGTTCTTCAATTGTCTCTCCGGTATCCTCAATTGGTAGCAAATATTCTCTACTTGACAGATTCC  
CTCAAGTCTCTTCCCACCTTCTGGATTCTCTGTTAATTTGGCAATGAGTTCTTGAGATTTTAGCTATGAACTTG  
GAATTTCTTCTGAATATTTTCTGGTTTAGGGCTCAAAGAAGCAATGATTTGGGTCCAATTCTTAAACCTTCTAGC  
GCCATTGTGGACCAAGGGCATCAAATACTTGCTTTAACATCAGGATATGGGGATTTTCTCTACTTTTCAATTTCTT  
CCTTGGGAAACTAATGCTAATGCCAATGCCCGGGAGGATATCATTTTAGCAAAAACAACCTATTAATAGAACT  
TGAAAAGGCAACCCAAGCGTGGTAGAGCAATCGAGAACGGTGTTGGAGAAACGTCATTACGGTTCAAACCAT  
ATGTGTGTAAAGTCCATGGCATAACGGGTGTAAGGGCTTTTCTTCTCAGCTGTTTCCACGTTATGGACATTAC  
TGTGGTCCAAATTGGTCTAGTGGGAAAGACAACGGGTCTCTCGTTTGGGATAAACGACCAATTGATTGGCTG  
GATTTCTGTTGTTATTGCCACGATATTGGTTATGATACTCATAATCAAGGAGAGTTGTTAAAGGCTGATTTGGC  
ATTTCTTGAGTGCTTAGAAAGGCCTAATATGGTCACAAAAGGAGATGCTCGTGTTGCTACTCTTACCGAACCA  
TGTGTATCACAGGTCTGAAGAATTTGCTAATTCCTTATAGAAGGCAACTTATTCATCTTCCGTCTTTCCCTTACC  
AACCTGCATTACGTTTGGATGGCTTAGCAATGTGAAATGGTTTGGTTGGACTGGCAAGAGATGAGCAAAAG  
CATCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2083 Novel Gene

ATCACAAAACAATAAAAGAAAATGTTATTCAAAGTTGATGAAGTTGTTGGGAACTTTCTGCTACCGCCTTATT  
ATTCTAACTCCACTTGTTGACGATCTTGTTCCAATTTCTCTTCCAGAAAATAGAATTTCCCGACTCACAAATT  
CTCCCGTTTCTTTCGATGGAAGTTACAATTCTAAGGCAGAGTTGATTTTATAAATTACAGATTGATTTTCAAAC  
CTTTGTCTGGTTGATCGTTCTTCTGTGCGGAAGACGATTCCGGCCACTGGCCAGAATTTTCGTAGCTTTTCGTCTGTT  
CGAAGCCCTACGATGAAATCTTTCGACAAAACGCCGATAGGAACTCGTCTTTTCTGAACCTGTCAGCTCAAT  
CCACAGTCCTCTTTATTCCGATGGCTCTCCTTCTTCTTCCGGTAACGATAATTCAAATCGGGGCATAAGAAAC  
AATTTATCAGGAAACGAGGTGGATTTGATTTGGGTATACGAGCATGTTAAGTTGGGGCCTAAATTTCTGGT  
AACTGCTAAAGGTAAATTGAGATTAGGAGCAAAAATTATACGACAAGGTGGCAGAAAGAACATATTCAAACA  
GGTTTTTGAATTGTAGAAGGAGAGCAGCTTTTGAAGGCCTCTCAATGCTACTTATCAACAAGTGCAGGGCCC  
ATTGCTGGGCTTCTTTTCATATCTACAGAGAAGGTTGCTTCTGCAGTGAGCAAAGTATCACTTTCTCTTACCA  
ACTGGAGAATTGCTCAAAACACCTTATAAGGTTTTGATACCATTAAGAAGATCAGAAAAGCCAATCAAAGTG  
AGAATGTCAATGATCCAACAAAAAGTACATCGAAGTGGTGACGGATGACAACTTTGATTTCTGGTTTATGGG

ATTTTGGAGATATGAAAAGGCATTACAAATCTTCAGAAGGCCATTTCCATGGCTAACAGATCAATGCAACAGT  
CCACAGATATATCATGAAACTAACCAATT

>trans\_c\_2084 BT006553|Arabidopsis thaliana At4g39880 gene, complete cds

TCTACGACCGCTATTATCTCAGCACAAGACCTAACAAATCCCAGCACTGCACCTCGCCGTTCCGGTCCCAAATCCC  
TTCAGTTCGTTGAAAGCTTGCAAGTACAAATCTACTATTCTCAGATTGGAGTTAGAATTTGTAATTGGGTTTTTC  
AAAGGATCTGTTTCATCGGCTGTTTCATTTCGACGCGGAAGCCAAGAAATCCAGGAACATGGGAAGCAGACTCGG  
GAGAAGAGTTGTTCACTTCGCAAATCTTCCAATCAAGCTTCTTATGCCTACCTCCTTCACCAACATCACTGAAAT  
TGCTCTTAAAACCACTCCTTCTGCTTCTAAAATTGAAATCAAGCGCGTCTTGAGAGCCTTACGGCTTTCAGGT  
CGATAAAGTTCGAACTCTTAACATGGAGGGGAAGAAAAAGAGCGTGGAGGGATTGATCGCAAAGCCTG  
ATTACAAGAAGGCCTATGTTACTCTCAGAAATCCTTTGTCAATCTCTCAGGACATGTACCCGATCCGCATTATA  
GAGGAGGATAAGAGGAATATGAACAAACAGTCTAAGTCCAGCATTGTTGAGGAGGGCGAGGCAAAGAGGC  
ATTGGCTGCATGAGAAAGAGCCTGTGGGAATCAAACTTACAAGGGTTTTGCTGATAGAGGCCGCCGACGAA  
TTGGCGGCGGCGCTGAAACGGTTGAGCCATCACTAAGTTTCCTGGAGTAGCATGAGGTCTGGTAGGTAGT  
GGTAGTGTGAAGAAACGTATCTCAGTTACTTCTAATTGTCATTTGGTTTGGATTTTGTTCCTCTAAATGATA  
ATAGTGCATTAGGTTGGTGATGGCTTGGAGCTTACTGATAAATGTTTATTTTCTAACTATGAAATGAACTTCTT  
GGGCCCTCTATGGGGATTTTTTCTGGAGGAAAGTTCTGTTTTGTTGATTGAATCAATAAAATAATTAAGAGTT  
GCATTTGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2085 EU916962|Beta vulgaris ELF4-like protein mRNA, complete cds

ACTTCCCTCTTTCAGTTTCTCTCTCTAAAATCCTCTCTCTGTTGTAATTCTCAAGGATTCAGAGGGTAGGGGCC  
TGTTTGGGAGATTTCGATTGAAGCGGCGATCCTTTTTTATTTTTTCTATTTCTTTTTCTTTTAGATTTCTGGGT  
ATTTCTTGATTTTGTTCATCCTTATTTTTTGCTTTGGGAAATCTCTCTTTCTGAGTTCTTCTCATTCTA  
TCCCTGTATCTCTTCTCTCTCCAATATAATGTTCCAGATTTTCGAGAGAAGGTTGTGATTTGATAGAATTCTG  
ATCTGTAAAAGAATGGAGGGTGATACATTTTCGGGGCTTGGGAGTAGTCCACAGATTGATAGCAAGATTTTAC  
AAACATTTCAGAAGAATTCGTTCAAGTTCAAAACATATTGGATCAAAACAAGCTGCTTATTAGTGAGATAAAC  
CAGAATCACGAGTCAAAAATCCCGGACAATCTTAACAGAAATGTGGGTCTGATCAGAGAATTAAACAACAATA  
TCAGGAGGGTTGTTGACTTATATGCTGATCTATCATGTTCAATCACCAGATCCATGGAAGTTTCTTCAGAAGGT  
GATTCAAGTGCGCTTTGAAATCAGATGGAAAAGCAGGTCAGAAGAGAAATAGGGCTGCTTAAATCAACAAA  
AATTCATCTTCTCATTCTTTGGCATGGTGGGAGAGGAGGAGGAAGAACAACATATTTTCTCATCTCTG  
TCAAAAACAAAAAGGCTAGTATATCAAATAGATTCTCTGTAACTTTCTGTATGATTTAGCTATCTAGTTTTTAC  
TTAGTTCTTGATCATCGTCGTCGTCATTATCGTCATTATCATCCCTCTCCTGCATTGCTTAGAGAAAATAATTGTC  
CTGATTCTGTATTTAATTGCTTTTCTGCCTAACTGTGGATCTACTTGACAAAATTAAGCATCAAATTCTCATCTAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2086 NM\_120880|Arabidopsis thaliana dentin sialophosphoprotein-related (AT5G07980)  
mRNA, complete cds

CAATGAAGAACTTCCCAGATCAGTTCACTGTCTGCATCTTCATGGTTTAAGTTCAAAAATGGGCAGCTGCACG  
CAAAACATCCTGGTGGACACTTCTCTCTTGAACCCTTCAGATAATTTATGCAAACAGTCATCTCTGGGTGGA  
ATAGATTCTGCAGATGTTAATCTGAGTGGTAAAGTTTGGTCAACTGCTGCTACAACCACGGTGGCAACTGACT  
TAACAGTCCCTTATGGATTGCCTTCTACTGTCACTGCTGAAACTGGGGTCATTTTGAGACCTAAAAAGCGTAAA  
CTTGACTCATCTGAGCTTCAACCATGGCATCTAGAAGTCCAAGGTTCTCAAAGAATTGTGAATATCAGAGTGG  
CAGAACAAGACTGGGCCCAAAACACAAACCGGCTGACAGAAAAAATGGTAAATGAAGTTGAGATGATTGA  
AGATGTGATGCTTCGATCGAAGAGAAAGCTTATTGTGACAACACAGCTGTTGCAGCAGTTAGTTTGTCTGCA

CCATCATCTATCCTCTCAGCAGATGCCTTCTTCTTCTATGATAGCGTGATATACTTTATCTTAAGAGCGTCATTA  
GGGGATACGTGCAGCCTGATATGTGGACAAACAAATGATTTTCGTGTTTCCACTCTTGATAACAGAAATGTAA  
TTTCCGAGGATACTGTTAAATGTACTGATGATAAGTACATAGAGAAGACTGTGGAAAGATTCTACGGGAGAG  
CTGGGAGACTGGAAAATGACCTGCAAAGATTGGACAGGACAGCTTCCATTGTGGACTTGATGGTTGAATGTC  
AAGATTTGGAACGATTTTCTGTGATTAATCGTTTTGCAAAGTTTCACATACGTCAAGCAGAACTCTCTGGAAAT  
GCTTCTTCAAATGGATTAGTTACATTGGCACCAAAATCATGTCCCCAAAGATATGTCACTGTACACCCCATTCTT  
AATCATCTTCCAGAGGGTGTACAATGCCTTCACT

>trans\_c\_2087 AY110285|Zea mays CL47158\_1 mRNA sequence

CTCTTCCCTTTCTTTATTTACCAACTTCACCACAGAACAAACAACAGGAGCTTTGATTCTGAAGGAAG  
GTCGGAGAGTGATAGACACTGACAAATAATTTCAAGGGACCTGCTCTTTGATCTTCTTCTGGAATCGAATTT  
TCCTTGGCTTTCTTTTCCCTCCAAATCCTCTTCACTTGGGTGTTTTTCTTCATGGGAACAGTGGTTGTCTTGA  
TGCTACACGAAGCCGGAATAAAAACTCATCTGAATGAACCATCAAAGGTCAACAAATTCATGTCATGGAG  
TAAGGAAACCCAGCCTATCAGAGGATTTCTGGACTACTAGTACATTTGATGTGGAGAATAGTGCAGGTCAATC  
ACAAGGAAGTATGTCATCATTGAGTACAATCAACCATATGCACGATCCACACGGTAGCTCGGGCAATGTACCC  
AACCTTCAGAGTTTCTAAATCATGGTCTTCTTCTGTGGAATCAAAGTAGGCAACGCTGGACAGGGAATAAAC  
AATCCGAAAAGCGAGCACCGCAGTTTCAAGAACCCAAGTTAGATTGGAATGTAAGTTATGAAAGTTTACTAGG  
GAGCAACAAGCCATTTCTGCAACCTATTCCACTCGGCGAAATGGTAGATTTTCTTGTGGATGTATGGGAACAA  
GAAGGGTTGTATGATTGATTAATTTGAAGAGTACACAAGGCTTGATTGGAAGAAGTTGAATCATAGTCTCAC  
TGTTTTTTTTCAAACCACATTGAAATCTGCCTGTATTTGCTGATCAAACGCATTCAAATTAACATTTTCCCTGCT  
GCCTGCCTATTTTGGTGCTTGGTTTGTGTTTTTGGTTTTTGGTTTTTCTCTTAATGCCTTTGGTTTGGTAA  
TTACTGTAGAGTTTCATATCTTTACTCTGTTGTAGAAAATTCAGCTGTGATGGAAATTACTATTTTGGAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2088 AF530159|Nicotiana glutinosa tousled-like protein kinase (TLK1) mRNA, partial cds

ACCTGAAAAAGAAGCCAGGATTATCATAGTTCAGATATTTTCATGGCCTTGTTTACTTGAACAAAATTGCACACA  
AAAAATTATCCATTATGACCTGAAACCTGGTAACGTTTTATTGACGAACTAGGTGTTGCAAAAGTGACAGATT  
TTGGTCTCAGTAAATAGTTGAGGATGATGTTGGATCACAGGGTATGGAACCTACTTCGCAGGGCGCTGGAA  
CATATTGGTATTTACCTCCGGAATGCTTTGAGCTCAGCAAGACTCCTTTAATATCATCCAAGGTTGATGTCTGG  
TCAGCTGGTGTACTACTATATCAAATGCTCTTTGGCAGACGTCCATTTGGACATGATCAAACGCAAGAAAGAA  
TACTTCGTGAAGACACGATTATAAAAGCTCGTAAAGTTGATTTCCCTACTCGACCAGCTGTCTCAAACGAGGC  
GAAGGATTTTATACGCCGTTGTTTGACGTATAACCAAGCTGATAGACCCGATGTTTTGACAATTGCTCAAGATT  
CATACCTAACCTACTTGAAGAAGTGATCACTTGAGATCCACATTACAGGAATTTATAAGAAGCTCTATCTTTCT  
ACAGCAAGGCAAGAAAGTATAGTAACTCATGGAACTGTATACACAAAAAGGGCTGGTCTGCCACTCTTA  
AGGTTGATCAGAGGTGTGCCCTTTTGACTTACTTCAATTGTCCTATCTTCAAATAATTGAAGGTTTGGCAAAG  
TTTGTAGTTTGGAAAGTTGCCGTTTGGGTGAAGGGCACAGTGTCTACAATCCTTGTTTAGTGTTCTGAAAATG  
GGCTCTAGAGGCCCTAAAATGGGGGGAAATGAGGGAAGTTTTGCTTTTCTTTGTTTGGCCAGTTATTTTTTT  
TCCCTTATGGAAAATGATTGATTTTGATGTATTAATATTTTCTTCACTTCATATGATATTGGCAATCTCCTTGC  
CAATCTTTAGATAAACCGCATTTTCTGCAA

>trans\_c\_2089 NM\_180408|Arabidopsis thaliana OTU-like cysteine protease family protein  
(AT3G62940) mRNA, complete cds

TCTTCTCTAATGCCCTAGCTTCTCTCAGTTCATTTCTCTTCAACCTCTTCTCATCACATTTCAATTTTCAATTTTC  
CGTTCGATTTGGCCCTAGCTTCTGCTATACTGCTTTTTGTTTTTGGATTTGACGGAAAATTGTTGACATTTAGA

AGAAGAACGCTTGGTGAGGGTCATTTCTTAAAGTAATTCTTGAAGAAGATAGTTGCTGAGAACTATGGATGAC  
ACTGAGCAAATAGAGGACACATCATCTGGAAGTGTCCCGGATAAAGCATCTCAAGAGAATCATGAAAGTCGT  
GATGAAATGCTTTCAAGGCATAGGAAAAGAGATATCTCAGTTGCAGAACAAAGAAATCGAACTTAAAAAGGCA  
GCGGCTAGAGGTAGCAAAGCTGAACAAAAAGTGAAGAAAAAACAGGTGGAGGAAGAGATATCTCAACTTT  
CTGGGAAGCTTAAAAAGAAACATGCTGAAGAACTCGCGTCCTTAGGCTTTAGTAACAGTAATGGAAATGAGA  
AAAACATCGACAATCTAGTGAAGGCCATAGCTGGGGTATCTATGACAGCTCAATCCGATCATTCAAAGCCGAG  
CAAAAGCACAAGGCGTAAAGAGAAAAGGGCTCAACAAGAAGCCGAAAGAGACCGAAGAATTGAAGAGGAG  
CAAAGCAACATCGTGAGTGATAGAATGATCGAAAATGAGCATTTGGAAAAGAAGCTCGGACCTCTTNGGTTT  
GACTGTCAACGAAATCAAGCCAGATGGACATTGCCTCTACAGAGCAGTTGAAAACCAGCTAGCCTACCTTTTC  
AGGAGGTTTCATCTCCATACAACTACCAACAATTCGGGAAATGGTAGCAGCTTACATGAGAGACCATCAACT  
GATGACATGCCATTTTCTCTCGGACAATGGCATAGAAGGCAACTCCAACAGTTCGTTGGCTGAAAGGTTTG  
AAAATTACTGCAAGGAAGTCGAGTCAACTGCAGCATGGGGA

>trans\_c\_2090 AY116944|Arabidopsis thaliana At1g35680/F15O4\_7 mRNA, complete cds

ATGGCTAAAACAAACGCGCACACACACACAACACAAGACCTTCAGCAGGTCTCTCTAATGGCGTCTCTTACT  
CTTCCCTCTGCGCCAATTTCTCTTCAATGCCGACTCTCCACCAACCATAGTCTACCTTTATCCACCCCGTTTC  
CCTCTTCTAGTTCCAACCATCATTTCCCCCTTTCACCTTCATCATCTTCCCTCAAGCTCTCTTCTCCGCTCTGCA  
TTCTCCTCCTCCTCAACTCCTCCGACTCTGAAACCGCCGTAATCGACTCTGACCCTGACGCTTCTCAAGCCCTT  
GAAATCCCCTCCCAACAGACCCCCAACCGCGAGGAAATCTTTGCGGTTGTTATGATTGGATCCCGCCAATATAT  
AGTCTTTCCAGGGCGTTATATTCATACCCAGAGGCTGAAAGGGGCTAACGTCAATGATAAGATAACTCTGAAC  
AAGGTTTTGCTCGTGGAACAAAACTCAGACATACATTGGAAAACCAGTAGTTACAAATGCCGCCGTTTCATG  
CTGTTGTTGAGGAGCAGGGATTAGATGACAAGGTAATTGTCTTCAAGTACAAGAAAAAGAAAACTACCGAC  
GAAACATTGGGCACCGTCAGCCCAATACGCGAATTAGGATAACTGAAATCTCTGGATATCAAGACTACCCAGC  
AACCACGCTCGAGTCGTAGGAACAAATTCCGATGCTTTGAAGTTCCTATTTCTTGCTCAAGATTCCCCTTTTTT  
GTATGTAAGTTCTTGATTTAAAATGTTTCAGTTGAGTTGTTTCTATCTGATAATGAATCTCAGAAGATCCTCC  
GGTGACCATTATGTCAAAATTTGAAGGAAATATATTGCTAATATGGAGTCTAGGAATGTACTAATTTGTAGCT  
TAATATTAAAGGGTATCCAAAACCTAGTGGGCATATTTGAAATATGGTAAAGAATCAATTGTCTCGAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2091 XM\_002311178|Populus trichocarpa cytochrome P450 probable 6-  
deoxocathasterone to 6-deoxoteasterone or cathasterone to teasterone (CYP90A6v1), mRNA

CTTCCATTTGCTAACTTCATCTCTGTAATACAGCAGAATAGCTCGGGCTCAACGACATTAAATGCATTTACACC  
GTTTGGTGAGGTTCAAGATTGTGCCAGGTTACGAGCTGGCCAGAGTAGAACTCTGTGTTTCCTTCATCATC  
TTGTCACCCAATTCAGGTACTCATCTACCTGCTCAAACATAGTTTAAATATGCAAACTCTGCTAAGATATCAATT  
GTAATTCATCAATATTTTCAAGTTGGCTTCCAGCAGAAGACGATAAGTTAGTATTTTTCCCAACAACAAGAACACA  
GAAGCGGTATCCTATCTATGTGACGCGTAAGAACGAAATTACACAATGTAAAGACAACCATCCAGACACATGA  
AGGGAAGAGAGTCGAGCTGGGGTTTCGATATGTAGAGGGGAGGTGTAATCTTCTCTTAATCCTGTATGAAT  
AAGATCATATGCTAAAGTAATGAGTTTTATAATACACAGAATATGGAGCTACTCAATAGCACAGCCAATGAAT  
TACCAATACAAAAATTATAAATATCACTTCTCTCAGCCCCACTCCAAGGGCACCAATTTTCTAGCCAATCAA  
ACACAGTCTTCTACCTACATATCTTGAGTCAGATGTTGTCCAAGCTTCAAAATTCAGATGATTTGACATAAGTC  
TGAAGAATTTGGGGGGTTTGAGACAGGCTTCTTTACAGAAATAGTCAGAGATATCTAGTTGCAATTCCATTGA  
ACACATTCAAATACAGAGAAGAGAAGATATCAGGATCTGTTCTCCTTGCTTTGTATCCTAGATTCAACTAG  
CTTAACCTTTTGTAGTTCTCAGCATTGAGGAGGGAGAGTTTCTCAAGTGATGATTTGAGTTGGGAGATCTGA

GTAAATGAAATATCCAAAAGGCAAGGAAGAAGCCTTACACGCATGCGCCAATAGGGAAGAAGCAGCATCTTCA  
AGTTCAAGCTAAGCTCAATCCTCCTTCTTCTTCTTCTCGTTTTCAATTCTGATTCTTACCCTTTTCTTGTTTT  
CTCATTCTCCAATGGGTTCCATTTCTCTGGACATTTCTTCCACCTTTTTTACCATCCCTTCTACTCGCTCTAACCG  
TATTTCTTCCCGCTTTCCTTCTGCTTTTCTCCATCTCGCCCTTCACCTTCACTCTCACTTCTTTTCAATCAACACC  
TCTTCCCGCCCTCCAGTCCAAACGAACCTCCCCAAAATTCTCTGTCTTCGCCTCCACGGCCACACCCACATCAGA  
GAGCGATGAATCCGATGTTTTGACCAAGATTCCCCCGATGACCGGATTCCGGCTACCATTATCACTGGATTCT



TGGGTTCTGGGAAGACAACATTGCTTAACCATATATTAACAGCAGACCATGGGAAGCGAATTGCGGTAATTG  
AAAATGAGTTTGGAGAAGTAGATATTGATGGTTCTTTGGTTGCTGCAAAACTACTGGAGCTGAGGACATTGT  
TATGTTGAATAACGGATGTCTTTGTTGCACTGTGAGGGGTGATCTTGACGGATGATATCGGAGCTGGTTAAT  
AAGAAGAAAGGGAAATTTGACCATATTGTGATCGAGACTACAGGATTGGCAAATCCATCACCAATCATTGAG  
CATTTTATGCTGAGGACTCGGTTTTTAATGACGTGAAGTTGGATGGTGTGTCACATTAGTTGATGCCAAACAT  
GCAACATTCCACTTGGACGAAGTTAAGCCGGAAGGAGTTGTAAATGAAGCTGTAGAACAAATTGCTTACGCT  
GATCGAATCATAGTAAACAAGACTGATCTTGTTGGCGAGCCACAAATTGCTGATCTGGTCCAACGGATAAAGA  
AATAAAACCGGATGGCTCAACTG

>trans\_c\_2095 AF255679|Arabidopsis thaliana eIF3e mRNA, complete cds

AGGGTTTTTATCCTCCTTCTTCTCAAAGCACTCTTCTCTGTATCCACAGTATTCAAGCACAGGCTATACTACA  
ATGGCGGATTACGATCTAACTCCACGAATCGCGCCGAATCTAGACCGTCATCTTGCTTCCCTCTCCTTGAGTT  
CCTTCAAGAGAGACAGCTTTACCCCGATGAGCAGATCCTCAAGGCCAAGATCGAGCTTCTAAATAAGACAAAC  
ATGGTTGATTACGCCATGGACATCCACAAGTCACTCTACCACACTGAAGATGTTCTCAAGATATGGTGGACA  
GAAGGGCGGAAGTGGTGGCGAGGCTAAAGGCTTTGGAGGAGTCTGCAGCACCCTTGTGCTTTTTTGCAGA  
ATCCGGCTGCGGTTCAAGAACTGAGGGCTGATAAGCAGTACAATCTTCAGATGCTTAATGATCGTTATCAGAT  
TGGTCCAGATCAAATAGAAGCATTGTATCAATATGCCAAATTTGAGTTTGTGTTGGGAAGTACTCTGGTGCT  
GCTGACTATCTCTATCAGTACAGAGCCTTATGCACAAACAGTGAAAGGAGCCTCAGTGCTCTTTGGGGAAAAAT  
TGGCAGCTGAAGTATTAATGCAGAACTGGGATATTGCTGTTGAAGAGCTTAATCGTTTGAAGGAAATTATTGA  
CTCTAAGAATTTTTCGTCACCTATGAATCAAGTGCAAAGCAGAATATGGTTGATGCATTGGAGTCTCTTCATCT  
TTTTCAATCACGACAATGGGAGAACGCAGATCATTGATCTATTTAATCAAGATAAGTATTTAAATGCCATTCAA  
ACCAATGCACCACATCTTTTACGCTATTTGGCTACTGCCTTCATTGTGAATAAAAGGCGGAGGCCACAATTCAA  
AGATTTTATCAAGGGTATTCAAGCAAGAACAAAATTCCTATAAGGATCCCATCACAGAGTTTTTGACTTGTGTCT  
ATGTCAATTATGGATTTTGACGGGGCACAAA

>trans\_c\_2096 NM\_122221|Arabidopsis thaliana HUA2 (ENHANCER OF AG-4 2); transcription factor (HUA2) mRNA, complete cds

AAAGACAGATGCTTTCTGGCCACCTCAAAACCCACCAACTCATTTCTCTTATGCTAAGCCTCCGTTCAACAG  
CATCCTCCTCATCCATACCATCATTCATATCTTCGCCATCCCTTATGGATGGCCGGAGGCCATTTTTAGGTGAT  
GAACAGTGGAGAATGCCTTCAAGTGAATTCAAAACCTGAAAATCGTCAAGGTGTATGGATGAATGGGGGGAG  
AAATCCATCACATCCAGGTCCACCATTGAGCCAGGAAGCCTATTTTCAACCACCTTTGAACGACCACCAAATA  
ATATTGGTTTTGAGCGTCTGCCTCCAATAGTATTCCTTCTGGAGCTCCAATTTCTGGTCATGGCATTCTCAAA  
TGTTGCCGTCTAGACAAGACATTTCAACTCTTAATTGTTGGCGGCCTACATAAGAGGTGTTATTTCTTTCAATT  
GCTGAATATGGAATTGGAATACAAAATTGATTTGTACTGTAAAGAAAGATCAGCTTTGTGCATAAATTCTGTA  
CAACTTGAAGGCGCTGTCAACACTTTTGGAGGCTCTCGGCTGAACTCTGTAAATAGTAGTTATCCTGACAACT  
TGATCCAGGAACATTTGCTCCCAAGTGTAGGCCCATGTTTCTGACCTGGTTTTGATAGAGTATTAAGATAGAG  
AAAGATGAACAATTTTTGAGATTCTAGACTTTGTTTACTTTTAAACCGGGAAAAGAGAAGAGAGTCGCATTAT  
ATCCATGGAGATAGCCTCGCAGCTGCAAAGTTGAGATTGACTATATTTAACATGGAATTATTGTGCCAAACAC  
ACGTGGCTGATCCCTTATTATGCAGACTCCCATGTAAAGGTAGTCCCAGATAACTCAAAGGAAAAAAAAAAAA  
AACCAACTTTTCAAGATTTTATGTAATACCAATACTTTTATTACATTGTACATCATCATATCATTCCTTTTACGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2097 NM\_001189648|Oryza sativa Japonica Group Os11g0536900 (Os11g0536900)  
mRNA, complete cds

TTTCAACCGTAATCAAATCCCTGAGTTCTTCATGGCACCTGCTTGGGGACGGTGGTCCAAATTAGCCGCTTTAG  
TGGCGGCGGTGGCCATTCTGAGAGAGCTAGGGAAGAGATACGGATGGGAATTTGATAGAGAAGCGGCTCTC  
AAGGTGTTACCCAATGGTCTGATCGATTGGGTGTATGGGCCATGCCTGCCTATGTCGGCATCCATACCTTCAC  
ACTTGCTCTCTGTTTGCCTTATGCCGTCTTCTCGAAGCCACTGCTTCTTGTCTTTTCGGTTTCTTCCCTGCCGTG  
ATTTGCGTTTTCTCTGCCAAGGTCCTTGGGGCTTCCCTCTCCTTCTGGATCGGCAGGTTACTCTTTACGAATTCA  
AGTTCAGCCATGGAGTGGGCACAGAGGAATAAATATTTCCACCTTCTTCTAGAGGAGTAGAGCAAGATGGA  
TGGAAATTTGTCCTTCTTGCTCGCTTTTCACCGATTCCCTCATATGTTATAAATTATGCTCTTGCTGCAACCAA  
GTCGGGTTCTTTCTTGATTTTCTACTGCCAACTGTAATTGGATGCATGCCGATGATACTTCAGAACACGTCGAT  
TGGCAGTCTTGCTGGTGCTGCAGTTGCTTCAGCGTCGGGATCTCATAAATCTCAGATATGGTCATACATTTTCC  
CTGTACTTGGTATCGGATCAAGCATTCTAATTTCTGGAGGATTAAGAAAGTACTCTAGTGGACTCAAAATGAC  
GGGAAGTTCTTCCAGTGATGAAGGGAATGACAATGTTGACCCATCCAAAACCAAGGAGTTTAAGAAAACCTCA  
ATAATCTTTAGCGACATTCAGATAAGTTTAACTTTAGAAAATATACTTTCATTATGCTTTGAATGCCCTGGA  
CAAATGTCCATGACATCCGAAGTTTTCTGTTCTTCTCAAGAATTATTAGATTTATGGGATATTCTCCTCATGA  
TTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2098 NM\_001069690|Oryza sativa Japonica Group Os09g0412200 (Os09g0412200)  
mRNA, complete cds

CAAGTGCTCTGGCAGGGAAGGGTCCTTAATTCTCAGTTCACAGATGAAGAGTTGCGGAGTCAGGGTCGTTGC  
CCTTTGACCCCTGAAGAGATTGGTTTGCTAATGGCTGCCTTGGGTTTTGACAACAATACCCGTCTATATTTGGC  
TTCCACAAGGTATATGGTGGGGAAGCTAGGATTTGACTTTGCGGAGTCTTTTCCCATTAATGGAGGACAAG  
AAGAGTCTCACTTCTGGAAGTGAAGTAGCCCAAATCAAAGGAAAGGCCTCTTGCTCGCTGCGGTTGACTACT  
ACGTAAGCATGCATAGTGACATTTTTATCTCAGCTTCTCCTGGAAATATGCATAATGCAATGGTGGGGCATCGC  
ACGTACGAGAACTGAAGACCATAAGACCAAACATGGCATTATTGGGACAGCTTTTCATGAACAAAAGCATCA  
TTTGGTCAGACTTTTCAGCAGGCCACTGTAGAAGGCCACAAAAACAGACAAGGACAAATAAGGTTGAGAAAGC  
CAAAGCAATCAATATACACATATCCAGCTCCTGATTGTGTTTGCCACGCTTGAAATGCAGTTCCTATTGGATAC  
CACTTTCTGTACGAAACAGACCACGCTTAATGGTTCTGCAACTATCGTTTGTCGGCAGTAATCTGTTGAATAA  
AAATTAGATCTTCCCAATTGGTGGTCTGAATCATATGATGTTTTATGTAGAAAACAGTGCGATGTGAGGAAGA  
ACTTTCGTAATTTGTAAAGATGTGAAAGGTCTACTGCGAAGGCTTATATTGTCTTCTGGGACCGATTAGATTG  
ATGCAGTTATGTAGTGTGCTAATATCCTCGGATTATTGACGAATTATCTTGATGTAACGAGTTATGTAAAGAAT  
TGTTTGTAAGAAATACATCATTTTTGATGTAGTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2099 XM\_002881858|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glyoxalase 2-1 (GLX2-1), mRNA

TCTTCACATAATAATTACGATTTGAGTGCCAACTGCCCTCTCCCCTCCCCTCCTCTCCTCTCCACCGCTCTTCTCT  
CTCCGATCTCACGTCTTCTCTTCCGCCGGAGAAGAAGAAGTAGAAGAATATGCAGATGATGCTCTCCAAGGCC  
TCCTCTGCCATGGCCTCTTTACCTTGCACTAGGGTTAGAAGCGTATGTGTTTGGCCGAGTGTAACAGCTTTC  
TTTTAGAAAAGACCTTTTATATGGGGTTATGCGACTTTTATCTACTCCGTTGAAAACATTGCGTGGAGCTAGTC  
GTTGCTTAAAGTTGCTCAGTTTTGCAGTGTTGTCAACATGTCTTCCACTTTGCAAATTGAACTGGTTCCTTGTC  
TTCGCGACAACATATGCATACCTCTTACATGATGTTGATACCGGCACAGTTGGTGTTGTTGATCCATCTGAAGCT  
CTACCAGTTATAGATGCTTTAAGCAAGAAGAACAGAAATTTGACATATATACTCAATACTCATCATCATCATGA  
TCACACTGGTGGCAACGAAGAATTAAGCAAGGTATGGAGCAAAGGTAATTGGGTCTGGAATAGACAGCG  
ATAGAATTCCTGGAATTGACATAAGTTTAAAGATGGAGACAAGTGGATGTTTGCTGGCCATGAAGTGCATGT  
AATGGAAACACCTGGTCATACTCGAGGTCATATTAGTTTCTACTTTCCTGGATCCGCAGCAATATTTACTGGAG  
ATACTTTATTAGCTTATCTTGTTGGCAAGCTTTTTGAAGGAACTCTGAACAGATGCTATCTTCCCTTAAAAAGA

TCACTTCTTTGCCAGATGACACAAACATATTTTTGCGGTCACGAATATACTCTGAGTAACTCTAAGTTTGCTTTG  
TCCATTTGAACTAAGAACGAGGCTCTCAAATCTTATGCAACCCAGGTTGCTAATCTACGAAGCAAGGGCTTGC  
AACGATTCCAACAACATTAAAGAT

>trans\_c\_2100 AB294694|Hevea brasiliensis HbMVD mRNA for 5-phosphomevelonate kinase,  
complete cds, note: HbEST\_No.00526

TTTTACCAGAAGTGCTTTCTTCTGCTCAGGCTGCCAAGAATGGAATACCCATAGAAGAGGTCATTGTCGATAT  
CTTAAATCAGAAGTGGGACCATGAGAGGACTAAGTTCTCATTGCCTCCACTAATGACTCTTGACTTGGGGAG  
CCAGGAGTGGGAGGGTCATCCACGCCTTCCATGGTAGGTGCTGTCAAAAAATGGCAAAAATCTGACCCTCAA  
AGGTCTTTAGACACATGGAAGAAGTTGTCAGAAGGGAACCTCAGAACTTGAACTCAACTCAATACGTTGAGC  
AACTTGCAGCTGAACACTGGGATGCTTATAAATATATCATAAACAGTTGTTGCAAGCTCACCTCGGAAAAGT  
GGATTCATCAAGCCACAGAACCTAACAGCAAGCCATCATCAAAGCATTATTAGGAGCAAGAAATGCTATGCT  
TCAAAAAAGGCATCATATGCGCTTAATGGGTGAAGCTGCTGGTGTCCGAAAGAGCCAGAATCACAAACCAA  
GCTTTTAAATGCTACCATGAATATGGAAGGAGTCCTGGTAGCGGGAGTTCCAGGAGCAGGGGGGTTTGATGC  
TGTTTTTGCCGTGACCTTGGGAGACTCAACCAGCAATGTGATTAAATCATGGAGTTCCTGGATATTTTGGCTC  
TCCTTGTTAGAGAAGATCCCCGTGGTGTGCTTTGGAAAGTGGTGATCCACGAACCAACGCAATTACATCAGC  
TGTTTCATCAGTTCATATTTAGAAAAGGGAAGGTTTTTCATCTTGTTCTATTACATTGAATAATTTATTGCATCAA  
TTGAAAATGTGAATTTTCTTCAAAAATTATTTCCAACTTTTTAGATAATTAACAATTGATCCACTCATTACCCGA  
TTGGATGAAAGTCAATGTAATCTTCTTCTATTTACATTATGTATTACTCTTCTTTATCAATAAAGAGAAATAGC  
TAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2101 DQ657221|Austrobaileya scandens class III HD-Zip protein HDZ32A gene, partial cds

ATAATATCCACTTTTTCTCACCAACAAAACACACATACACAACACATACACACTTCATCTTCTCCTCCAATTAAA  
GATTGAACAGAAAGAAAAAATAAAAAACCATGGATCAAAATGGAGTAGTTCAATTCCAACACCAAAAGACA  
AGCATAGGAGATCAAAAGAAGATGAAACCCACCTCTCATCCAACACTAAAAAAGGTAACAAAATTACTTTTTT  
CACTCTCTCTCTCTCCTTCTTCTTCACTAACCTTCCATTTCATTCCATATCTCCTCCCATTCTTCAACCAACCAA  
TTGACAAAAACTCCATGTTCTCCTTTGTAACGCCCTCCTCGTTTTCTTGCAAATTACTCCGGTCTCTTCAAATC  
CCTCTCTTCTCCCCCAAACATCTCGACACCAATTTCCGATTCTTCGACTTCGGCCTCGACCTTCTCAGAAGCC  
GTCATCGACTCACTCTGAACTCCAGAAGAAAAGAAAGATGACGCACAACAAAACACACCAAGTTTGAACAA  
CAAGAAGAAGAAGAAGCGTTAGGGGAAAGGCTTTTTGGAAGTGAACAGGGGAAGTTGTAGAGATGATTCA  
AGCAGAAGAAGAAGAAGACGACGAAGAAGAAGAAGGAATTGTGGAGTGATGAGTGATGAAGAACTC  
AATAGAAAGTTTGATGAATTCATCAAAGAATGAAGGAAGAAATCATTCTAGATGATGCTCCAAGAACTTAG  
TTGTTGTTTGATTATTATTATCACTACTTAGTTTTAGGCTAAATTACAAAATCAAATTTAAATTTAAATATT  
TTAAATAAACTTCCCTAATTGTTTTTAAATATTTTTATTTTTTAAAGGTGCAATAATTTACTTTTGACCTTTCA  
TGAACATTAGACTGAATTTGAAATTTGAATCAGTGTTGTCATGGGTGTTTAAGTTCTAAATTTTAGTTTTAGGT  
CATTGCTATACACTGTTTCCA

>trans\_c\_2102 AY107432|Zea mays PCO118402 mRNA sequence

TACGTGATGAACCATCAAATGAAAAGTCAGATGTTTACAGCTTTGGAGTGATTTTGTGGGAGTTGGCACTTT  
GCAACAGCCATGGTGTAATCTAAACCCAGCTCAGGTTGTGCGAGCTGTTGGATTAAAGGGCAAAAGGCATGA  
CATCCCACGAGATGTAATCCCAAATTGGCTTCCTTAATAGTGGCTTGCTGGGCCGATGAGCCATGGAAACGT  
CCTTCTTTTTCCAGCATTATGGAAACCTTGAAACCAATGACTAAACAAGCGCCACCTAAACAAGTCGCACAGA  
CACCCTCTCGTTATGTGACAATGTGTGTATCATAGGAATGCCTGACGTTTTAGAGGGGCTAAGTACGGTACCC  
TTCAAGAGATGTCTGGCATGTTTAAACCATACTCCAAACAAGCACCTGTGCTCGTAGCCAAATTTCCATTGC

TAGTAGTTACAATTTTCAAGCTAAGTTCCTTGACCGTGCTTCTCAAGTTTTGTGAACGGATGGGGAAGTGTT  
GGAAAACCTCAACTGCTAGACGATCCCATCAAATTTATTCTCAGTTCATAATCATCAAAATGTAGAGAGATTAT  
AAAAATGTGGATCACTTCATAGTCCACAATCAAGGAAGTTTCTACCTTTTGCTATGGTGATGAAGAACTTCA  
ACTCCATGTCACCCTATTTCACTTCACACATTATTTGTTTGATATCTATTGGTCTTACCTTTGAGGACTGGACCA  
GGAACATAATTTGTACATACTAGTGATCAGTTGTGGCTGGATGCAATCATGTCTTCAGTCAGACTTGGTGTTG  
CTAAGGAAATATCATTGTTGTTATTTAACAGCCACTTCAAACATTCAATTAATATTCACCGAGTCTATTATTTTA  
GGTCCCGAAAATGGGAAGTGAAAGTCCCAAAGGCGAGGGGTTCTTTTTTTTTTCTCCTCTTAAAGAGGCAG  
TGAAAGTTTATATTAGAAAGTGTTGGG

>trans\_c\_2103 NM\_104335|Arabidopsis thaliana esterase/lipase/thioesterase family protein  
(AT1G54570) mRNA, complete cds

AGAATGGCTGCTCGTTTTGGGGCTACAATTGTACCATTGGTGCTGTTGGAGAAGACGACATAGCACAAATGC  
TCTTAGATTATAATGACCTGATAAAGATTCCCTATGGTTAGTGACTACATCAGAGAGGCAAATCAGAATTCTGCT  
AAAGTGAGGGATGCAGACAAAGGAGAGGTGGGTAGCCAGAATCTTTCCCGCTCTGCTCTTCCCAAGATA  
CCCGGCCGTTTCTATTACCTGTTTGGTAAGCCAATAGTAACAAAAGGAAGAGAGGAAATCCTGAAGGACAAG  
AATAATGCAAACCAATTGTATGATCAGGTTAAATCTGAAGTTGAACATATTTTAGCTTACTTGATTAAGAAGCG  
GAAAGAGGATCCATATCGAACTTTATCGACAGAACAGTGATAAAGCCATTTATTCCTCTCAACATGAAGTTC  
CTACATTTGACCTATGAGAAATTATTCTTTTAAGTTTAAGTTGGATACAATCATTTTATTCAAGATTGAAGAACC  
TTCGGAGGTTTGCTTCAAATATTTCTATCCGAATATGTCAAGTCGTGATCTAGAAAGAGGACATCAACTGGTA  
CAAATTATGAGCTTGAATTTGGCTTTGTTTTCTCCATTCTAGCTTTAGGTGCCTGTATTATAAACAATTAGGAA  
TACAAAGAAAGTCCAAGCTCTGATTAACCACACAAAATAGGTTACCTTGTAATTTTAGCTTATTTGGTTACC  
CATTTTTTCTAATAGATACATAGCTATTGGAAGCTTTCCTGTCTTCTGGATTTTTATTTAGACTTCGGATGAAT  
TCAACGAAGGAATTGTTATTGGCCTTGATATCAAAAACCTCTAGAATTAGGGGGGCTGTTTGGTGATTGACA  
GGGGATGTAATTTCAAATTCATGTTTGGATTGGATGTTTTTTGCCGATTGCAATGTAAATTATTTCTGTCCTC  
GACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2104 XM\_002307975|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

TTTCAGCTAACCGTTAACATTGTTGCTCTGGTGATCAATTTGTTTCTGCTTGCCTCTCAGGATCTGCTCCTCTTA  
CGGCTGTACAGTTGCTTTGGGTGAACCTGATTATGGACACTCTTGGCCTTTGGCTCTGGCCACAGAGCCTCCAA  
ACGATGGACTTATGCAGAGACCTCCAATTCCTCAAGGGGGTTAACTTTATTACCAAAGCCATGTGGAGGAACAT  
TATTGGTCAGAGTATATATCAACTTGCTGTTCTTGCTGTTCTTAATTTGGGGGAAAGCAACTCTTGGAAGTTG  
ATGGATCTGATTCCACCATAGTTCTAAACACTTTGATTTTCAACTCATTTGTGTTCTGCCAGGTTTTCAACGAAA  
TTAACAGCCGTGAGATAGAAAAGATCAACATATTCCGAGGGATGTTGAGCAGCTGGATATTTATGGGAGTAA  
TGGTAGCCACAGTGGGGTTTCAAATAATAATTATAGAATTTTGGGAGCTTTGCAAGCACTGTACCACTGAG  
CCGGGAACTGTGGGGACTGAGTGTGTTGATTGGATTTGTGAGCATGCCAGTTGCAATTGTGTTGAAGCTCATC  
CCTGTTTCGTAAAGAAGAAGCATTACGGCCCCAGCATGATGGCTATGAACCACTCCCTTCTGGCCAGAGTTGG  
CTTGACCTTCAGAGCTCTAAACCACCAAGCAAGACATCTGAATTTCTATTGGAAATCATAAAGAATGGACTTT  
GTTAAGCTTGAGGTGTGAGTGTGATCACAAATTTTGTCTCATTAAACAAGAATGCTATTAATTATTACCACTTC  
TCTTCTTAACAATTGAAAAATAAAACAAAATGTTTCTTTTTCCCTTCTTGGTGTCTGTTTGTGTTTGTGAACA  
AGAGCACCTTAAGAAGGTAAGTAATGCAAGACCAATTGAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2105 NM\_001064838|Oryza sativa Japonica Group Os06g0665100 (Os06g0665100)  
mRNA, complete cds

CCCCAAAAGGAGGGGAAAAAAAAGAAAAGGGGGGGGGCTAGGGGGGCGCCAAAGGGAAGAGACCCAATGG  
GGGTAACCCCCCCCCCCCCCGGTTTATGGGGCCCTTCAGGGGGGCCCCCTTCCCCCCCCGGGTGGCCCA  
ATGTTGGGGAGGGGGTTCGGGGGGGGCCTTTTTTTTTTTTCCCAAGTGGGGAAAGGGGGGGGTGTGGCAA  
GGGGATTAAGTTGGGGAAACCCGGGTTTTTCCCCCCCCGGGGTTTTTAAAAGAGGGCCAATTAGGGGGGT  
AATACGCCCCCTTTTGGGGGAAATGGGCACCGGGCCCCCCCCGGGGTTGCCGGTTTTGGTAAATTTTTGG  
GGGGCGGGGGGCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTCCTCAATTTCTTGCCAATTTTGTTAATGCTTCATCCACT  
TGGATGCATGATTTCAATCAAGATTATCCTTGATGTAAATTAACAGTACATTGTTTTCTCTCTCTTTCTTTA  
TAAGAAGAGAAGCGCCTTATAGAGCATATGACTTTGGTGGCCCATATCTTAAGTTTTAACATGACAAATCAG  
TTATTCTGAAGCCAATCTCGAGCAGCCACCAGATCGGGAAGCACCCTGCCCCAGATTTCTCCATTCCTCAGC  
ATCTGATGTCTTAAATCTATCCAACAATAGACCATGCATTCCACACTCTTGCAGGAAGATAATCTTTTCGCAA  
GCTGTCTCCAATGTGGAGAGCTTCTTCTGGTGCTATATTCCAGCCCTCTCAATCGCAATCTCGTAGATTCTAG  
GATCTGGTTTCTCCACACCCTCGAGACCCGAGAATACACCAAAGTCCCATTCCGATCCCTGATTCAAGCCTAAG  
GCTGGAAGGATCACATCCTGGT

>trans\_c\_2106 NM\_128165|Arabidopsis thaliana emb1345 (embryo defective 1345); nucleotide  
binding (emb1345) mRNA, complete cds

AGAGCCGTGAAGTAATTGGCTTAGTTCATTAATGCGTACATCTCTGATAAGCGGACGACTTGTTGAGGAGAGA  
ATCGGCGGCGGCGCGTGCTGATCCCTTCGCCGACCATTACAGTAGAGCGGCATAGTCTTCAATTATTGCGGTC  
CTAGGGCTTGACAATTTCCCGTTCTTTTTTTCCGGAGATTTGGCCATTCTTGCGATGGAGCTTTTGGATGGCC  
GATTTGAGCTCAAGGAGACTGCCAAGCTTGAAGGTCATACTGATAGGGTATGGAGTCTAGCATGGAATCCGG  
CCACCGGAGTTGGAGGAATTCACCTTGTTTTGCTTCCTGCAGCGGCGATAAAACCGTCCGTATCTGGGAGGA  
AAGTCCCTCCTCTGGTTCTGGAATTGCAAGGCAGTTTGGGAAGAAACACATACTAGAACTGTGAGGTCATGC  
GCTTGGTCACCAAATGGTAAATTATTGGCCACTGCAAGCTTTGATGCCACCACCGCTATTTGGGAGAATATAG  
GGGGTGATTATGAATGTGTTTCCACTCTAGAGGGACATGAGAATGAGATCAAAAGCGTAGCTTGGAATGCAT  
CTGGCTCTCTGCTTGCAACATGCAGTCGAGATAGAACCGTCTGGATTTGGGAAGTATTGCCAGGAAATGAGTA  
TGAGTGTGTTTCTGTGTTGCAAGGACACACACAAGATGTAAAAATGGTTCAATGGCACCCAACCATGGATCTT  
TTATTCTCATGTAGCTATGACAACACTGTCAAGGTTTGGGCAGGTGATGATGACAATGATGATTGGCATTGTG  
TTCAGACTTCAGATGAATCTAACAATGGTCACTCTTCTACAGTTTTGGGCCCTTTCTTTTAATGCAACTGGAGAA  
AAAATGGTCACCTGTAGTGATGATCTACCCCTTAAATTTGAGAAACAGATGAGACAAATTTGCATTCTGAGG  
CTGGCTATTACCATGGAGGCATACTTGTACTCTT

>trans\_c\_2107 NM\_118356|Arabidopsis thaliana SOBER1 (SUPPRESSOR OF AVRBT-ELICITED  
RESISTANCE 1); carboxylesterase (SOBER1) mRNA, complete cds

AGACCAACTATGCCTACTCCATCGGTTCTGCTGCAACTAACCAAGCCCATCACACTCTCTGTAGCCACCCTCGC  
CGCAACCAATTCTCTTTGTTCTATTTCAATCCCCCTCACTCATCTTCTTCAACAACCCACATCCCATGGCTGCTCGA  
AGTTTCATCCTCTGGCTTCATGGATTAGGAGATTGGGTCTGCCAACGAGCCAATTAAGAGTCTCTTCACTTC  
CCCTGAGTGTAAGCGCACTTCTGGTCCTTCCCCTCTGCTCCTAACCAACCCTGTCACCTGTAATTATGGTGCTGT  
AATGCCTTCATGGTTTGACATTCATGAGATTCCAGTTACTGCTGATTCTCCGAAGGCTGAAAGCTCTGTACTTG  
AAGCAGTACAAAGTGACATGCAAAGATAGACAAAGTGGTAGATGGTGGCATAAGTCCAAATAACATATTTG  
TGTGTGGATTCAGTCAAGGAGGTGCCTTGACATTAGCCAGTGTTCTTCTATATCCAAAACTCTAGGAGGAGG  
TGCAGTATTTAGTGGATGGGTTCTTTCAACTCAACCATTATTGACCGAATACATCCAGATGCAAAACGGACAC  
CGATTCTATGGTCTCATGGAATCGACGACAGAACCGTATTGTTTGAAGCTGGGCAAGCCGGGCCACCATTCCT  
CGAAAAGGCAGGACTGAGCTGTGAATTCAAGGCTTATCCCGGTCTTGACATTGATAAGCATGGAGGAGCT

TAAACACCTTGAGTCATGGATCAAGAGCCGTCTACAAAGCTCTTCCTAAACCCTTTTAGTGATCACATTCATC  
GTTTCCTGACGTGGGAAGATGTTATTTTTATTAAGCTGGATAAACTGAATAAATATCATTTTCATGAACAACCTT  
TAAGCGCCTTATAATAGAAATTTATTTGGAAAGGCGTCAAAGTAGGGTTTCTTTAATTGTATATTCTAACTTT  
ATTAGAAATATAATGTCGTTTTCGTA

>trans\_c\_2108 AY105226|Zea mays PCO110390 mRNA sequence

ATCGAGCAGTACATTATGAAGGAACCTAGCAGAATCTGGCGTAGTATTTGATTCAACTCGCGAAGACAATAC  
TGTTTTCTCTTTGAGCTTGAAAAAGGATCCGTGATCCAGGCATGGGAAATTGCCGTCAAGACAATGAAGGTC  
GGAGAGGTTGCAAAAATCACATGCAAGCCAGAATATGCTTATGGAGTTGCTGGTTCTCCACCGGACATCCCAC  
CAGAGTAATGTCCTTACTCTTTTTCTCCTACTTATTATTATAAACGAGACACGGGAGTTGGTAGTGGCTTTATG  
ATAATGTCTTGAATTCATTTCAAGGATACTAATGGTTACTGTATTTAAAATAGTATTCTGCTTTGGCTTGGACTG  
GACCTTATTTCTCTAGGACATTTTCCTCATGAAGTATGTTGGACATTGCAATTGCCATGGATTCCCTTTATTCAA  
TGGCTTTTTGTAGATTGTATATGTGCTTCTCAATTTTAGGTGATAAATTCATAACCCACTGTGTCACTCTCGTT  
GCAGAGCAACTCTTATCTTTGAGGTGGAATTAGTGGCCTGCAAGCCCCGAAAGGTTCAAGTCTAGGCAGCG  
TTTCTGAGGAAAGGGCTAGGCTGGAGTAAGTAATCCAGTTCTTCAACGATCCACTCTTTCAAAAATTTATTTA  
CAATTTATTTTTTTGACATTATTGAATCAGAGAGTTGAAAAGGCAAAGGGAGGCTACTGCTGCATTGAAAGA  
AGAGGAGAAGAAAAAGAGAGATGAAGCCAAAGCAGCGGCAGCTGCTCGGATGCAAGCCAAGTTAGAGTCC  
AAAAAGGGCGGAAAGGGGAAGAGCAAAGCAAATAATTTTATGTTACAGTGTTAAAAGATCAGTTAAACAA  
AATAAATGAGATAGAACTTTGGAGTCATGGATTTGTAATACATTTGAATTTGCTGTAGCAAATAGGATGATA  
CAGTGAATTTGAGTCACGTTGCTTAGTATTTCC

>trans\_c\_2109 GU732479|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D55)  
mRNA, complete cds

GTAATAATTACAGGACTTCTTCTGTAATTCATGGTGTGTACTGAGGGCATGCCCCGATTTCCCTTCCCCTCCATT  
TACTCAACTTCATCTTTGTTTGTCTTCTTCAATTTATCACTCACAAATCCCTAAAATCTTGTTCCAACCTTTCAC  
TCAACTTGCAATAACCCCTTTATAGTTCTATCTGAATCCAACCATCGTTTCCAGTTCTTTGTACATTCCGTTTCC  
AGTTCTTTGTGTTCAATTTGAGGAACAACCATGTGTGGAGGTGCTATCATTTCTGATTTTATTCCACCATCATG  
CTCTAATCGGGTCACCGCCGATCACCTTTGGCCGAATTTGAAGAAACCTAAATCAGGGAAACATTCGTCCCCTA  
GGTCCCTCAGGTCGCGGATCTTCGATGTTGATGATTTGAGGCTGATTTCCGGGACTTCAAGGATGAGTCTGA  
CGTTGAAGATGAAGATGATTTCTCGGATATTAACCTTTCTTTTCTACTCTAATTCCGCTGCTCATCCACT  
CGCGGATCAAGTGCTACAAAATCTTTGGAGTTCAATGAGCAAGCTGAGAAGTCTGCAAATACTAAGAGGAAG  
AACCAATATAGGGGAATAAGGCAGCGTCCTTGGGGTAAGTGGGCTGCTGAGATCCGAGACCCCAGGAAAGG  
GGCCCGTGTATGGCTTGGTACTTTCAATACTGCAGAAGAAGCTGCAAGAGCATATGATGCTGAGGCGCGGAG  
AATTCGAGGCAACAAAGCCAGGGTGAATTTCCCTGACGAACCTTTGCCTAATACTCAGAAGCGGAAAACTCA  
CAGAAAGCAAAACAACATATCAAGGAAAACGTGAAAGCAAACCAACATCCAAATCAAACTACTCTGGAACC  
CACTGGTTTCTGAAAAGTAAGCCTCCAAGTATCAAGTTGGATACATGGACTCATTCCTGCTAGTATGGATA  
GTTCTCCATCGGACGATATGGGTCATG

>trans\_c\_2110 NM\_001051542|Oryza sativa Japonica Group Os01g0882300 (Os01g0882300)  
mRNA, complete cds

TAAAAAAATTTTGGGGGAAAGATCTTCGTCTCTCTCTCTCCTGGTCGGCCTTCCGATTCCGATCCAATCCCA  
GAAGCGTCCCAGCTGTATCCAGTTTCACTTACCCACGGCGGGACCTCTTTATAACCGCAGACATAAGAACCC  
ATTTCTAGTTTCCACCGTTCTTCATTTTCAAACCTTCTATTTCCATTAACACCCATTTATCCTTTTGATCTTTACTTC  
TCCTCGCCATGAACTAAATACCCAGTTTTTTGAATTAGTTCATCGGTTTCTCAAGCATCTACTTTCTCCTATGGC

GGCGGAGCCTCCCAGTTGGCAAGAGGGTATGTCCTCTGACAACGTAAAAGGCCTCGTACTTGCACTTTCTTCC  
AGTTTCTTCATTGGTGGGAGCTTCATTGTCAAGAAGAAGGGCTTGAAGAAAGCTGGTGCTTCAGGAATCAGA  
GCAGGAGCGGGCGGATTACTTACTTATACGAGCCGTTGTGGTGGTTGGGCATGATAACAATGATTGTTGGA  
GAAATTGCTAATTTCTAGCATAACGCATTTGCACCAGCCTTATTAGTCACTCCTCTTGGAGCTCTCAGCATAATA  
ACCAAGTGCTGTTCTTGACATATCATTTTAGGGGAGAAGCTACATATTTTGGGGTCTTGGTTGTATTCTATGT  
GTGGTGGGCTCCATAACCATTGTTCTTCATGCACCTCAAGAACGTGAAATAGAATCCGTGACAGAAGTTTGGC  
AAATGGCAATGGAGCCAGCTTTTTCTTTGTATGCGACTCTGGTCATAACCTCTGCTATTATACTCATATTCCACT  
TCATACCTCAATATGGCCGGACACACATAATGGTTTATATTGGAGTTTGTCCCTTTTAGGTTCTTTATCGGTTA  
TGGGTGTTAAAGCTCTTGAATTGCCATGAAGTTGACACTATCTGGAGTAAATCAATTCGTTTATCCGCAAAC  
TGGCTTTTGTCTATAATC

>trans\_c\_2111 AF302664|Arabidopsis thaliana ubiquitin-specific protease 14 (UBP14) mRNA,  
complete cds

TCTTAGTCAAATGCGTAGTAAAGGACCTCAGGCTGGGGAAGAGCTTTTGCCCGAGGCTGATCCTGAGGACGA  
GTTTCAGTCAAGTAGACCTTCAGCCAACGATGATATTGTTGCTCAACTTGTGTCAATGGGATTTAACCATCTTC  
ACTGTCAGAAAGCTGCCATTAATACCTCAGACGCTGGAGTTGAAGAGGCTATGAATTGGTTACTTTCTCACAT  
GGATGATCCAGATATAAATGATCCAATCTCCAGAAGGCAGATTATATTGTTGATCAAACAAAAGTGGATATG  
TTGCTTCAGTTTGGTTTTCAAGAAGCCATTGCTAAGAAAGCATTAAAGGCATCTGGTGGTGACATTGAGAAAG  
CGACAGATTGGATATTTAACAATCCTGAAGCTTCTATATCATCAGAACCAGACTGTTTGGACGCCACTACATCA  
AGCACACCAACTAACGTCGATGCCGGGCTACCTGATGGTGGAGAGAGATATAAACTGATGGGAATAATAAGC  
CACATTGGGACTTCTACTCAATGCGGTCACTATGTTGCGCACATCTTTAAAGATGGTAGATGGGTTATTTTCAA  
TGACGACAAAAGTTGGGGTTTCGGTTAACCCCCCAAGGACATGGGATATTTATATTTCTTGAAAGACTCAAA  
GAGTAGACAGCGGATTTCTGTTGCAGAAAAGAACTCAAGCTTTTGAACTTCACCCAAATATGGTAAGAACTGA  
GCCAGGGAGAAAAAGGAAAAAATCACTCAATTGACAGATACACCAGCTTTGGTGGCATGATCGATCCAAAC  
TGAACCGTGCAATGCCTCTAATTATGATGCAAGATTTTGTGAAAAACGGTGGCTTGTGGGACTGGTTTTGTT  
GCTGTAATGGATGGCTATTCTATATTGGGTGCCCCGTCTCCCTTCCCCCTACAAGAAATTTTATATACAATT  
GTTTCCATGGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2112 NM\_114912|Arabidopsis thaliana phosphoglycerate/bisphosphoglycerate mutase  
family protein (AT3G50520) mRNA, complete cds

AAGTAAAAGAGAAGACAAATTGTGAATGGGCCTCTCTCCTCCTCATGAGCGCCGTGGGCTTCTTCAATCTTCT  
TACAACTCCGGCGCCCATTTCTGCTTCCAATCCTCCGTTGCGATTCTCATTTCTCAGCGTCTAAAATCAACTTC  
ATCTAACTGCAACATCTCGGATGCTTTCATTTTTACTACCCTCCAGACTCCATCACTCAGAACCGAATCTCTTCC  
ATGGCGGACTTCGATTATAGCTTTGTGAACCCAGCTGTTGCTGAAATTATCGTTGTAAGGCACGGTGAAACAG  
CTTGGAATGCCGATGGGAGAATTCAGGGACACCTGGACGTTGAATTAATGAAGCTGGGCGACAGCAAGCT  
GTTGCAATTGCTAATCGGCTGGCCAAGGAGCCTCCACTCTCTGCTGTCTACTCTTCTGACTTAAAAAGAGCTCT  
TGAAACAGCACAGATAATTGCCACCACTTGTTGTAATCTTGAGGTTATTACAGATCCTGACTTGAGGGAAAGA  
AATTTAGGAGATCTTCAAGGTCTTGTGTACCGTGAAGCAGTCCTAACAAACCCTGAAGCTTCTGAGGCTTTGA  
GGTCTCACAGGTCAGACCAACAATTCCGGGTGGTGGAGAAAGCCTTGACCAACTTTATCAGCGTTGCACATC  
GTCATTGCAAAAGATTGGAAATAAGCATAGAGGGCAACGAGTAGTTGTAGTCTCTCATGGTGGTACGATCCG  
AGCGCTGTGGAAACGAGCTCATCCTCAGGGCATGGAAGTGGAGGAAAGATACTGAATACATCCGTGAATGT  
ATTTCACTTGTCTGATGGAGATAAATGGAAGATAAAAAACATGGGGGTGATGTTAGCCATCTTGACCAGACAG  
ATTATCTGCAATCTGGATTTGGAGGAGATAAAAAATTCTGGTTAGGTAGACACGGTTCACGTTACATTATATTG  
TGTTCTATGTCGGTGTCATTTGATTCAAGCACAG

>trans\_c\_2113 XM\_002869699|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RWP-RK domain-containing protein, mRNA

ATCCTTTAACTCCAGAAGGGTCTAACCAGCAAACTTTGTTGCTTCTCAACCATCTGATTCTCAATATAAGGAA  
ACAAACACCTCAGAAGCACAGACAAACGACACACAGGCTAGGTTGGAAGATCAATTACATAGAGGAGTGTTG  
AGTCCAGAAGAACCAATTCACGAACAAAATGGATTCTGCCAAAGTTTGGAATGGTTTGAACAATTTTCGAA  
CAGGGAGCGGATCACGGGAAACAGTGCCGGGACGCCTACTTCTCATGGTTCATGCCAAGGTAGTCCTGCAAA  
CGACAGTGCCTAGCAAATAATCCCATTCTATTCCTCAGCATGAACAATGTGTAAGAAGAGAATCTCCTGAA  
GTAGCATTCCATCCAATCGATAAACTGAATGTATCGGCGCCTGCTTGTTCAATCCCAGATACGCTTGTGATGGT  
TGAGCCTGAGGAACCATTTGGAGGAATGCTGATCGAGGATGCAGGAAGTTCTAAGGACTTAAAAAATCTTTG  
TGCTTCTGTTGCCGATGCTGTTCTGATGAGCCAGTACCCGAATTTTGTGGTCCAACCATCATGATATAGCTCT  
GAGACAACCTATGGACTCAAATTGTCACACAGTCCCTCATATATACCAAGGCAAGAACCAAGGAGGATAACT  
ATCAAGGCCACTTATAAGGAAGATATTATTCGATTTTGAATTCCTTTGAGTTCTGGTACTGTGGAGTTGAGAGA  
AGAAGTGGCAAAGAGACTGAAATTGGAGGTTGGTACGTTTCGATATCAAATATATTGATGACGATCGTGAATG  
GGTCTTATTGCGTGTGATGCAGATCTACAAGAGTGTGTAGATATCTCGAAGTCGTCAGGAACAATATCATA  
AGATTGTCAGTTCATGATTTAAATGTCAATCTTGAGAGTTCTTGTGAGAGTACTGGGGAGTGAGAATTTGGGT  
TGTGGATATTGAAAAATTGCCGACGTCTCCTCTCT

>trans\_c\_2114 AF492818|Phaseolus vulgaris cyclic nucleotide-gated channel C (CNGC-C) mRNA, partial cds

AAAAAATGGATGAACAATTGTTGGATGCGATGTGTGACCGTCTCAAGCCAGTACTATATACAGAGGAAAGCT  
ACATCGTTAGGGAAGGAGATCCAGTAGACGAGATGATTTTCATTATGCGAGGCAAGCTATTGTCTGTAACCTAC  
GAATGGGGGCGAGAACTGGTTTCTTTAATTCTGAACATCTTAAGGCGGGTGATTTCTGTGGTGAAGAGTTACTG  
ACATGGGCTCTGGATCCACACTCCTCATCTAACCTGCCAATTTCAACGAGAACTGTTTCAACACTTTTCAGAAAGT  
CGAAGCATTGCTTTGAAGGCTGATGACTTGAAGTTTGTAGCCTCACAGTTCGGAAGACTTCACAGCAAGCAG  
CTGCGACACACTTTAGACTTTATTCGAGCAATGGAGGACATGGGCAGCATGTTTTATACAAGCAGCATGGC  
GCCGATACCGCAGGAAGAAGCATGAACAGACTCTCTTGAAGAAGAAAACAGGTTAAAGATGCATTGGCCA  
AGACAGGTGGGAGTTCTCCTAGTTTAGGTGCCACCATCTATGCATCTAGATTTGCAGCTAACATCCTTAGAACG  
ATTCGACGGACAAGCTCACGGAAGGCCAGGATTCCAGAGAGAATACCACCAATGTTGCTTCAGAAACCAGCA  
GAACCAGATTTTACCTCTGAAGAGAATAGTTGATAGAGCAAAGGAATTCCTTGTATACAAAAAAGTGTATGTC  
TATTCTATGCATCGTTCTTATTTTCATAATATTGGAACGAGAGAATCTTACTGCCATGGTGTGTTTGCTTAAACAC  
CATTGTATCATTAAAGCTTTGATTGATGGCAAAAGATTTCAACCAGAGATCACTTAAGCAGGATCCAGGAAA  
CGGTCATTGCCTAAAAAATAAGTTTATCTGGATCACTGATGGATGCCTATTTGCCGATCTCGTGCCATTGAGTT  
CGTTATGCATTCAAGATCAAGATTTTGTGATATT

>trans\_c\_2115 BT010656|Arabidopsis thaliana At4g13220 mRNA, complete cds

AATTCAATTCCATCGTCGTTTCAAATCATCCATTTTAATGGCTTCTTCGTGTCTATTTCACAACTTCCCTTCAAT  
TTCAGCACACCCTTTAACACGCCATAGAAAATCCAATATTTCCCTCCATTCCCAGTTCTCCTTTGAATTCCTTA  
AAACTCAAAAAACAATCTCAAATTGAAAAGCTAAGAGCTCGAGGTTCTCCTTCTTTCCCTCTTGTATATGCCGC  
TCAGAACAAATTTCTTGAGAGTCTTTCAGACAGTTTGAAGATTGGGAAGGATGGAATTGAGGCAGGAACAGA  
CCTAGTACCTGGCTCTGTACCAAGACCAATTGCAAGGATATCTGTTGGAATAGTTGCATTAGCAATTGGACTCT  
TTTTGTTCAAGTCAATTTTGTCTACAGCCTATTTGTGCTGGCTATGATGGGAGCAATTTATTTTCATATTTATAG  
CGTTGAATAAAGATGAAGGGCCAAGAGGAGGTGGAGGCTCTTCTCCTCCTCCTCAACCTCTACAGAAGA  
AACTCTTGAAGAAGCCAGAAGAATAATGGAGAAGTACAAGTAGCAACACCTGCTGAAAGCCAGTGTCAAATA  
CTCCGTAGGAATTTGGTATAAATCATTTCCCATATTTGTCAAATATCATAGTCACCCTAGTCTTGCTCCACCC



AGGATATGAAGTTAATATTCGTC AACATACTAAAATTGCTTCACAATCCAAATAATCCTAAGTTTTGTCTGCTT  
TATAATTTTTTGGGGTCACACACCGTACAAGAGGTTGCCATATTTGCTGGTATCTTGTCCAATTGAAGTTGTAA  
ACACCATGAATTTGAGGACTACAAGTATAACGAATGCAATGCTCTTTTTGTAATTAAGATGCAAACTTATATTT  
TTCTGGACCATACACTATGACCCATTTTATCTGCTGAAGAAGTGTTCCAGATATCACATTTTGTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2116 XM\_002893271|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata bet v I allergen family protein,  
mRNA

CCGCCTCTCCCCNGCGGGTTGGCCGATNCNTTAATGCAGCTGGCACGNCAGGTTTNNCGACTGGANAGCGG  
GCAGTGAGCGCAACGCAANTAATGTGAGTTAGCTCACTCATTAGGCACCCAGGCTTTACACTTTATGCTTCC  
GGCTCGTATGNTGTGTGGAANTGTGAGCGGATAACAATTTNCACAGGNACCAGCTATGACCATGATTACGC  
CAAGCTATTTAGGTGACACTATAGAATACTCAAGCTATGCATCCAACGCGTTGGGAGCTCTCCCATATGGTCG  
ACCTGCAGNCGGCCNNGNATTCACTAGTGATTAGCGTGGTCGCGGCCGAGGTCACTCTTTCCAACCTACTGAT  
CTTCAACAATGGCTTCTGATGGAACACTTAGCGTAGAGGTGGACGTGAAGTCCGTCGCAGACAAGTTCTGGA  
AGAACATGAGGGACTCAACAATCATCTTCCCTAAGGCCTTCCCCATGACTACAAAAGCATTGAAGTCCTGA  
AGGCGATGGGAAAGCAGTTGGTTCCATTGCGCTCATTACATACTCCGAGGGTTCTCCGATAGTTAAAGAGTCG  
AAAGAGAGGATTGAGGCTGCGGACGAGGAAAAGAAGACGGTTTCTTACAGCGTGATAGGAGGGGATCTTCT  
CAAGTACTACAAGAGTTTCAAGGGGCACATTGTTGTGATTCTTAAAGAAGATGGAAATGGGAGTTCAGTGAA  
ATGGAGCTGCGAGTTCGAGAAGGCGAGTGAGGAGATTCTGATCCTCATGCCATAAAGGATTTTGTGGTGAA  
GAATTTTCATGGAACCTGACGACTACTGTCATCAGCAGGCATAGATCCAATCATATAAGGCTATGGAGAATAAT  
ATGGTTCCTTTGTATGCGTTCCTGGTGTTAATATTCTCTTCATCTGCTTCTTGGCTATATAAATTAAATAAT  
CCTCTTCTTGTCTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2117 HM244408|Hevea brasiliensis isolate Reyan7-33-97 beta-hydroxyacyl-acyl carrier  
protein dehydratase mRNA, complete cds

TCAAATTCATTTTCATAAATTCACATACCTTCGTTCTACCTTTTCCACTTCCTTAGAATTCTCCGCTTTTCTTTC  
GCATCAATGGCTGCCACTTCCCATTCTCTTCTCTTCCACCAATTCTCAATGTCTCAACAAGCCCACTTGCCTTC  
TTCCTCCCACCACTAACTCTAAATCCCTCTTCAGATCCCCCTCTCTCTTTTCGCTCCAAGTCTCTTCCCACTATC  
CGCTGTTCTCTCAACAATGGCGACGATCCCATGAAAAAAGTTTTTCATCTTTTCTACTGTTATGGATATCAAT  
GAGATTCGTAAAATCTTGCCTCACAGGTTTCCGATTCTTTAGTAGATAGAGTTATTGAATACAATCCTGGAGT  
CTCGGTTGTTGCTATTAAGAATGTCACTATAAATGAGAGTTTCTTCCAGGGCACTTCCCTGAGAGACCCATCA  
TGCCTGGTGTTCATGGTTGAGGCAATGGCTCAAACCTGGCGGTATAGTTATGCTGCAACCAGATGTGGGAG  
GCTCTCGTGAAAATTTCTTCTTGTGCGGTATTGATAAAGTGAGGTTCCGAAAGCCCGTGATCGCAGGAGACAC  
GTTGGTCATGCGAATGACTCTTGTCAAGTTGCAGAAGAAGTTTGGAATTGCCAAATGGAAGGGAAGGCATA  
CGTTGGAGGGGATGTCGTCTGCGAAGGTGAGTTCTTGATGGCCATGGGCAAAGAAGAATAAAAAATTTCTCT  
ACTATATCTGTCTTTATGATGCTCGACGTTTTGATTTGTTTCTTATTTTTTGGGATAAAAAATTTGAGAGTTAGG  
ATTCTGCACATCTAGGAAGAAGTGTGATACTATGCTTCACTATAGATCTGTGGATTTTCATTGAAGCAGTAAT  
CAATTTTATGGTCTTCTCTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAA  
AAAAAATCAAATTTATGAAA

>trans\_c\_2118 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TTTCAATTTTCTTTACCGCTCTCCGTCTTAGTAGAAAAGACACAGTATTCGGGATAGAAAGAAAACAATAATTGA  
AATAAATCTACGCTTCTTGGAGGTGCAATTTGAAAATCAAAAATTCCTTCTGTCGTGTATCCCCGATTAATGT  
AACCTTAGATGCTTTAATTGTCGATTCTAGTATTAAGCGAAAGGTGTAACCTATGGATTAAGTCAACCCTACTC

CACTAGTAAAAATATTTCACTAGTGGGAATAGGTAGCAGAGGGGAAGAAGCACTACACCTAGGAATCAACAAC  
ACGAAAACTTTGTTATAAATTATACCTTTTCTTATCGGGATCGGAACTTAGAAAAATGGTTGGGACAACAAAC  
ATCCATCTCGTTTGATTTTGGATACCTGTATAACCATCGAAGACTGTTGAAGTGAATAATTCCTGGAACAAAT  
GACGCGTTGAGGACAAAGAAATTGTTAGAGTTACCATTTTTATTTTTATCTAGTAAACCATGCTTGATGTTAAG  
AAAAGATCTTTTACAGGAAGGTTGGCTAGAGATTTTTGTAAAAACGCTAGTCCCATGAGTTCATAATGAGAG  
TATTTCAATGTTTTTGGATTCATGTATTATTCTCATCTCATTATGCGCATCAGATAAAGGGGGAGCCGTATGAG  
ATGAAAATCTCACGTACGGTCTGGAACGGAGATTCTTTCAATGGAATAACGAACGACCGTAACGGATGTGCG  
GCTCAATCCGAAGGAAATTATGCGGAAGCTCTACAGAATTATTATGAAGCTATGCGACTAGAAATCGATCCCT  
ATGATCGAAGTTATATACTCTATAACATAGGTCTTATCCACACAAGGAACGGAGAACATACAAAAGCTTTGGA  
ATATTATTTTCGGGCACTAGAACGAAACCCGTTCTTACCACAAGCTTTTAATAATATGGCTGTGATCTGTCATTA  
CGTGCGACTATCTCCACTATAGACGAG

>trans\_c\_2119 DQ074476|Malus x domestica MYBR5 mRNA, complete cds

TCATCTTCAATACTTACATGTCCGGGACCTGCTGGAGCTGCATCTTCTGGACAGTGAAGTCTGTCCAGCCACT  
CAATTCATCTCAAGTGCCAACAACCTGCAAATAATTGTTGCAGTAGTACTGAAAGCCCTTCAAAAGCACGCCCTC  
TTGTTGAAACAATTGATCAAGGAAGTAAATCATTCTCTTAGAGTTTTGCCAGATTTCTCACAGGTTTACAGATT  
CATTGGCAGTGATTTGACCCAAATGCTTCAGGTCATCTGCAAAAGTTGAAGAGGATGGACCCAATTGATGTC  
GAAACTGTTCTGCTGTTGATGAGAACTTATCCATCAATCTGATCAGTCCTGATTTTGAGGATCATAAGAAGTT  
GCTTTCATCCTATGAGATCGATTGAGGCCAATTCGGCATGGCGATATGGATAAGCCCATCTATATTGATGATC  
ATAAATCCAATTTGGTATCCAACCTAGTAGGCACGGGAGGAGGTGATAAGACAGTATGCTGCTATTCATGGGT  
GCACCTCAGACAACACAACACAATGCTGACCCCGATGCTAATAATAAGCAAGACCGACCCAAAACAGACAG  
ATAACTTGCCCAAGTATGGATGCAATATTGTGGGGTTCCTTGAATATATATAAATATTTTTTAAATGTGGTCT  
GTTTATTTTGATGATGCATCTTATGTATATAACATAACCACCAAATCCTGTCCTGGCCTTTGTTGTATAGATGG  
AGAGCCCTTGAAATAGTGCTGTATAGCCCTTGTTAGGTAGGGAAGCCCTGTATTCAAGTTTTGGCAGTTTATTT  
GTAAACGGTTTTGTATAAACCTAAGCAATGCTTTTCTTTCTTTGCTTTTTTTTTTTGTGTTTTCCCTTTTG  
AGTGGAAGGAATATACCCAATGGTCATTGCCTATTTGATGACTGTATGATCAAGTTATTATGGTTGGACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2120 AB538233|Moss transformation vector pPHG-NMyc3 DNA, complete sequence

CACCAATTTGGTAAGTTTTCTTCTCCCTGTTCTTCTTTGTCAACCAAGTGGCTCTGTTAATGGCTTGGTGGATT  
GTTTCTGTAATGACTCTTTACACATCTGCCACCATTGTGCTATATCGTCGCGGTATCTTGACGTTTCTTGACAG  
TGTGAAATATGTGTTCTTTTTTTTTCTTTTTTTCTGTCGCTCTCTCGCTATTTCCCGGAATTTGTCCATTGA  
GTTTAGACTGCTGTAAGATTTTGAGCGAAATGAGAACAGCAATTTGGTTCTAGCCACGAAAATATCCGTATTG  
TGCTCTTGAACCTCATGAATCTTATTGTACAACTAACGCCGATCGACAGACCGAATATGAGATGGTTTTTGT  
GCTATGGTTTCTACTTTGCATTATGACTTCTCAGTGGTGTCTTTTCAATCTTGCCAGTGCAGGTGTGTATTTG  
TTTGAATGAAGCAACATATATTATGAATATTATTGAATTGAGTTGTCTAAATACTTCATTCTTAGTTTTCTGTTA  
ATGAGGTTGCTTATGAAATGTAATGTACATTGGGGGATTCTGTATGATGTGTTGGATTAAAAAATGTCTTAG  
AGATGAATAGCTCAGGCTAGAGGATTATCGTTCCTACTTCCTTTTTCGGGTGGGCGATGTCTGAAATTGATTTT  
GGATGAATTTTGAATATAATTTTCTGTTGATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
GGCCGGCCCCCCCCGCCCTCAACAACTTATCCCTACCACCTACCGGGGGGGGGCGGGCCCCCACCCATCCTC  
CCTAGAGTGAGATTAATTACGCTCGCTGGCCGGCGTCTTTTCCACCGGCCTGGCAGGAACAAGCCTGTCCC  
CACCTTACTTACCCTGCTTGCCATCCCCCCCCCTTCGCCGGCTGGAGAACTAACAAACACGCCCCCATCGATCT  
TCCTTCCCAATGCTTGCC

>trans\_c\_2121 AF375415|Arabidopsis thaliana F15M4.4/F15M4.4 mRNA, complete cds

CTTTAACATCTTCTCCAATGCCTACTATTCAAGGCACCATATCCTTCAGGGATTCCAGCACCTGTTGCAGCACAGC  
CACAGTTCGTTGTTTCATTCTCCTTCTCAGTTCGTACAAGGTAGCGGTTCTGACCAAACATCTGGGTGAGGAGTT  
GATCAGGTATCAATAGATTGCAGCAGGACTTAGAGCAGCGAACTGCTACTTGAGTGGCGGGCTTCGGATCT  
AGCCTTGCAAATAATTTATCATGCATTCTAGAGGTCATAGTCATGCTCACCAGAGACATCAGGCGGTCTTGAGT  
CGCTCCAGATGGTGGAGAAGGAATATGGAAGATGCAGGCTGCTCTCTAAATACTTTTCTTCTCCAGTGTTTA  
TAACTTTTTTACACTACCAACCCTCTCACGGAAGGGTAGTCATGGATTGATTGATGGGTGCTTAAATCGGTTT  
TAAGCATCTATTTAGGAATAAAAAAACGTGTAAAAAGAAAGTCAAATATAGAATCAACATATGATTCCTTTAATA  
GTCAACTCCCGGCATTTTGGGTGTATAGGAAAGTCTCTGGTGCTTTGTGTGGTCATGGGTCTATCATCATCTGG  
TACTAATATATGATTTTATAAGTTCATGTGCATATTAGTTCTTAGGATTTATTGTAATTTGGAAGTTCCATAATTT  
GGATTTCTTTGAGGCCTGACTGACTTCATAACAACGAAGCAGCTTCGGGTTCAATCAGGAAGATCAAATTGC  
TGATTTTTCATTTAATAACCCCTCGCTGGCATGGCAGTTTGGGATTGGCTGCACCAGAGGATGTAAAGTTTTTG  
GTTCTTCTTCACAGTGTTTGGACTATGGTTAGGTTTTGCGAACATTCTGTTTATTATTGTGTTTGTGTGGTA  
AGGCAACATTATTTTCATTTCCCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2122 Novel Gene

AAGTTCGAAAACCGCAAACTTTGAGAATTGAAGGGAAAAAGGAAGACGAAAAGAATGAGTTCATCAAGAA  
GGGCCTGGATTGTAGCCGCCAGTGTGGGCGTGGTGGAAGCATTAAAGGATCAAGGAATTTGCCGATGGAAT  
CACACCATTAGATCGGCACATCAATACGCTAGAAACCATGTGAGATCGGTGCCTCAGGCCACTAGATTGACTG  
GCTCCTCCGCCGCCGTGGTTTCCAGCAAGCCACAGCAGAAGCAATCGGAAGAATCTTTGAGAACCGTCATGTA  
TTTGAGCTGTTGGGGTCCCAATTAAAGTCCCCTTTTGTCAAGATTTAGAGTCTGATACTAAAATCAGCCGCCG  
CCAGAGAGGATCTCGGCGAGGCTTTATAATTCCCTCTTGAACCACAGTGGGGTTGGGCGAAAAAATCGCCG  
GTAGGGGATGTGTACTGTAACGATGTATATGAATTGGGTATTTGGTGTCAATGGAAATCATACAATTACCGGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCTCAAAAAGTTTATCAATCCC  
GCCAACCCAGGGGGGGGCCGGGACCCCATTTCCCCTATAGGGGGTCGAATTACGCGCGCTCACGGGCCGT  
CTTTTAAAACGCCGGGAGGGGAAAAACCGGGGGTTCCCAATTTAATCCCTTGAACCACTTCCCCTTTTCC  
CCGGTGGGGGAAAAAGCAAAAGGCCCCCCCAATCCCCTTCCAAACATTTGCCACCCGGAAGGGGAAAG  
GGAACGCCCCCGGAAGGGGCCCATTAAGCGGGGGGGGGGGGGGGTTACCCGAAGGGGGACCGTTACATT  
TGCCAGCGCCCTAGCCCCGCTCTTTCTTTTTTTCCTTCTTT

>trans\_c\_2123 HM068864|Carica papaya L-allo-threonine aldolase mRNA, complete cds

GAACCCAATCGTGGGTAAATCCGTATCTAAGTGTGTTGAAGTACTTAAAGAAGCTATATCAACTGCTTTTTCTTG  
GGCTTATAACATCTTCCATTTCAAGATTTCAAGTGCAAAATGGTGAGTAGAAAGGTGGATTTGCGGTCAGACAC  
TGTGACGAAACCGACGGAATCAATGCGAGCTGCGATGGCTATGGCGGAGGTGGACGACGATGTGTTGGGGT  
ACGACCCACAGCCTTGAGATTGGAAGAAAAGATGGCAAGATAATGGGAAAAGAAGGAGGGTTATTCGTT  
CCATCAGGGACAATGGGAAATCTAATAAGTATTCTTGTGATTGTGAACTAGAGGGAGTGAAGTGATTGTT  
GGAGACAATTCTCATATTCATATATTGGAGAATGGAGGTATTGCAACCATTGGAGGAGTTCATCCAAGAACGG  
TGAAGAACAAAGATGATGGAACAATGGATATTGATTTGATTGAAGCTGCCATTAGAAATCCAAAGGGACAGC  
TCTTCTTCCCACAACAAGGCTCATTTGTTTAGAAAATACACATGCAAATTCGGGTGGAAAATGTCTTTCGATG  
GAATATACCGATGAAGTTGGAGAGTTAGCTAAAAGCATGACCTCAAACCTCACATTGATGGAGCTCGAATTT  
TCAATGCTTCAATTGCATGCCTAGCAAAACCGGTCGATCCACCGGTACGAGCCAATCATTACGGATCAAAAAG  
ACTATAATACCAAGGCAATAAGGATTAGAAAAACATTGGGTGGAGGAATGAGGCAAAATTGGCATCCTTTGTG  
CAGCTGGACTTGTTGCTATCAAAGAGAATGTTCAAAAACCTGAAGCTGATCATGAGAAGGCTAAGCAACTAGC

GAGTGGGTTATACCAAATCAAAGGATTAAAGGTAGATCCGAAATCAGTTGAGACAAACATTATATTCTTTGAA  
ATAGAAGACGATTACGGAATCTCGATGGAAACATTATG

>trans\_c\_2124 BT014821|Arabidopsis thaliana At5g54850 gene, complete cds

ATGAGAAGAGGGCGATGGCCGAACTTTTTGGAGGCGAAAATTGCAGTGAGGTTACGTTTGATTGTCTGCT  
GGAGATTGTCAATAAGACAGGAAATTTACAACCTTGAGATCTAATTTTACCTTTCATTCAAACCTTCTTCTTTGGAG  
CTTCAGATTTTCGTTTCCATTCAATCCACTCACTGAAGGATTCCCAAATTTGAAACCCCATTTTCCCCTTTTGATCT  
TCCCTCTTTTGTGGGTCGCTTCGTTTCTCGTCCCTTCTTGGCTGCAGATTTTGTTGATTTTCTTGTGGCGGCAA  
GTATTGAAGATCTTCTCTTCTTCTTTGGAGAACTTGCTTATCTGACAAAAAACATGGTTCAGAAATTGCAA  
CCCATCAAAGGTGGTGGAGGATCCATTAAGGTTGGAGCCACCGGAACTATTAGCTCTCTAATGATGAGGGAA  
TTAGAGTCAATGAGATCAGCCTCCAAGAAGCCGGTAACTTCGAAAAACAAATCTTCATCTGCTACTACTACTAC  
TATCACTGTTTCTTCTGCTACTTCCATTCTAAAAGACTAGGTCAAAGTAAATCGTTTGTAGAGGTAAGCGATA  
GAAGATATAATAGTGTTAATAACAGAAGCTTTGGGAACTCTCATAATGCTACTAAAACCTGGTTCGAGGGATGT  
CCATCGAATGCCAATGCTTAGCTCTAATGATGTTTATACTGATGGAAATAGCTATAGAGAGAAACCAGAAAGG  
AAAGGACTTAGAGCAGTTGCAATTGTGGATGTAAAGTGCAATAACCCTGATAGAGCTTGGGCTAGCCGCCCT  
CTATCAAGTCGTCTCAGAAAACCTCGTTTTTCAAAGCTATCAGAAACCTTTGCTTGATTACATCATACCCGACT  
TATAGGCTGCTTCTATCTGAATCTTTGTCGCTTTAGGAGCTTGCTGCCCCCTCCTCAAGTTTTCTTATAGTTAGT  
TACAGGGTTTCAAATGATGT

>trans\_c\_2125 NM\_102375|Arabidopsis thaliana cytochrome B561 family protein (AT1G26100)  
mRNA, complete cds

AATTCGGTGTACTCGACAGCAGAGGCACAGCCATTAATTGAAGTTCGCCCATAGATTCATTGTCGGCAGTTTTTC  
ATAGCCTGCCTACCACTGCACTCTTGGCTGAGCCAAAATCATTGAGCTGCAGGCCGCCTTTCTCTGTCCCCATG  
GCTGCAGCATTGCCCTCACTGACCCCACTACTCATCTTTGCCAGAATCTTTGGTCTGCTTGTTGCTGTTCTGGTC  
TTCGTTTGGGCTTTTGTATTCAGTTCCAGCTTCGGTCATCCCCCTCCCCGTGATGACCGTCTCTTCGATGTTCTG  
CATCCTTTGTTTCATGGTAATTGGTCTCATTCTCCTCAGTGGAGAAGCAATTTTGGTTCATAGTTGGTTGCCTGGT  
TCGAGAAATTTGAGGAAATCTGTTTCATCTGAGTCTTCAAGGGCTAGCTTTGGCTTCTGGGATTCCGGAATTTG  
GACCAAGTTTCATTGGGATCGTGGCTTTTTGGCTAATTTCCACAGTTTACATTCTTGATGGGTTTGGTTGTCAT  
CACTTTGTTTGGGGCTCAGTGGATGATGGGGTTCCTGAGCTTCTGGCATTGGAGGGAGGTGAGGGCAACAAG  
AGAAAGAGTGCTGCCATGGCATGTGTTTCTGGTTTATACAGTTATGCATTGGCAGTGGTAACAGCAGAAACA  
GGGCTTCTTGAGAAGTTGACATTGTTGCAACAAGAGAAATGTACCTAGGAAGGGTCTGAAGCCATGGTA  
GTGAACAGTCTAGGCTTGCTCACTGGTTTTGCTTACTGGAATGGTGATGCTTATTGCTATATCTCTAAATATCCT  
CCTTCCCTCCCCACCATCAAACAACAACAACCAATTTTTCTTAATTCAAAGCCCTTATCTTCTTAATTTTGT  
GCCTCTTCTGCCATTTTCTTCTGTGCATTAGCCATAAATAAGAACTCTTTCCTTTTCTAGCGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2126 XM\_002312717|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ACGTGTGTCGCCATCGTCAAAGGCTTCGCCTCCAGTTCTCAACTTCAGCATACTCCGTTCCGGAAGCAAGCTCGG  
TTAGGGATTCAATCCAATCGGTGGCTTTCCTTCTTAGGTTGTCTTCTTTCATGAAATTCATCGTTCCAGGGCTT  
CACCAGTTTCAATCTCCATTAACAAATTTTCCCCGATAAAATAACCGAATTGAGAGCAATCGAAAATGGGTTTT  
GATCATCTTCCCACTGATACTGCACTGAAAATTGCTTCTTCCCTTCAGGTATCGGAAATTTGTTCTTTGGGCTGT  
TGTTTCGCGGTTTTGTAGGCAACTTTGCGATTCCGATTACCTGTGGGAATCTCTCGCGAGGGAAAGATGGCCTT  
ATATCAATGGTTCTTCTTCTCAACTCTCGACAATCCCCATTTCCATGGGATGGAAAAGCTTTTACATTGAGA  
GACATATTGAGATATTGGGAAGAGCCCAAGCAGCGGTGAAGTTGTAGAACAATGCTCTCCCTCTACCCCAAT

CGAGGGTGGAGACTATCTCAGGACAATTGGTGGCTTGTGGGATTTGAAACTTAGTTTTGTTGATGCTCAAATG  
GTGCTTTTCAAACCTCAACTCAATGAGCTGCTGAACTTGGTTGGCTTACACTACTGTAGAATTTGGCTTCAAGT  
CCCTGCCAATCAAATCCTGGAAGCACTTCAAAGATGCAAGATAGCAGAAAGGCATATATGTGTGAAATGGTG  
GAAGCTAGGAAGATGGTTTTATGGATTCCGTATGAGAGACGAACAACAACTCGTCGAGTCTCTCTGGCAGA  
ACTCATGACAGAAGAAGGGGAAGATGTTCTTGGGGTGTAGCCGTGGTGCCGTCCACGAGTTCTTCGAGT  
TCAGGTTTCTGTAGGTGATTCTTTGCGGTCACTGGTCTCGGCAAGCACATAAAATGAAAACACCCTTAGCATC  
ATCTTCCACGTAAGCAATCTGCAACT

>trans\_c\_2127 XM\_002867403|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT4g28450/F2009\_130, mRNA

AATGAAGGTCAAGGTGATATCCCGCTCCACTGATGAATTCCTCGTGAACGAAGCCATGACCTCCAGAGGGTC  
TTTCGGAACCTTCGACCCAGTCTCCGTCCGCAAGAGAAGGCGTTGAGTATGTCCGTGCTGTTAATGCCGCGA  
AATTGGACAAGATGTTTGCAAACCATTTATAGGAGCAATGGATGGACATATGGACGCCGTTTCATGTATGGC  
GAAGAATCCTAATCACTTGAAAGGGATATTTCCGGTTCGATGGATGGAGATATTCGTCTGTGGGATATTGCA  
AACAGGCGAACTGTTTGTGAGTTTCTGGACATCAAGGTGCCGTTGAGGTTTACTGCATCTACTGATGGAC  
GCATCTTGATATCATGCGGGACAGATTGCACTGTCAGGCTATGGAATGTTCCATTTCCCACTCTGAATTCATAT  
GAGACTTCAAATAATGCATCTGAGCCTCTGGCAGTTTATGTCTGGAAGAATGCTTTCTGGGCTGTTGATCATCA  
GTGGGATGGAAATCTTTTGTACTGCTGGTGTCAATTAGATATCTGGGATCACAAACAGGTCTCAACCAGTG  
AGCAGTTATGAGTGGGGAACAGACTCAGTTATCTCTGTTCTGTTTAACTCTGGGGAACCAATGTCCTGGCAA  
CATCAGCTAGTGATCGAAGTATTGCATTGTATGATTGCGCATGTCATCCCCAGCGAGGAAAGTAATTATGAG  
GACAAAAACAAATTCTATTTGTTGAAACCAAGGGAGCCAATGAACTTCACTGCTGCAATGAAGATTGCAAC  
TGTTATAGCTATGATTCTAGGAACTTGATGAGGCAAAATGTGTGCACAGAGATCATGTATCTGCAGTAATGG  
ATATTGATTTTTCACCAAGTGGTCGAGAATTTGTTACTGGCTCATATGATAGAACTATAAGAATCTTTCATATA  
ACGGGGGCCACAGCCGTGAGATTTATCAT

>trans\_c\_2128 AJ002485|Medicago sativa mRNA for protein phosphatase 1, beta subunit

TTCAAATATCGCACGATCTTTCTTGCTGTCTGTATTGGACAGCGGACCCTTTTCTCGAAAGTCAGCTCCCTT  
CAAAGTCCCCCTCCGATCCATCAGCAACCCCATATCGGACGGCGGCGGCGGCGGCCGACCATGCTTATACACC  
CAACCTCCTCCTCTTCCACTTTCTTCCCGTTTTCTTCCCCTTTCTTTATTTCAACAACGCCCACTAGACCCTTTCT  
TTCGGTTCCATTACAATATCACACCCCCAAATGGACCTTCTCTTCTCGACGATATTATCAATCGTCTTCTCGA  
GGTTCGTGGCCGTGTCGGCAAGCAGGTTGAGTGTCCGAGTCTGAGATCCGACAACTCTGTCAAGTTTCTAGA  
GAGATTTTCTTGACGAGCCTAATTTGTTGGAGCTGAAGCACCTATCAAGATTTGTGGTGATATACATGGGC  
AATATTCTGATCTATTAAGGCTTTTGAATATGGTGGGTTACCTCCTCATGCTAACTATTTATTTTGGGTGATT  
ATGTTGATCGAGGCAAGCAAAGTCTAGAAACCATATGTCTTCTCCTGGCATATAAAATAAAATATCCTGAGAA  
TTTTTTCATATTGAGAGGGAACCATGAATGTGCTTCTATAAATCGAATATATGGCTTCTATGACGAGTGAAAA  
GAAGATTTAATGTTAGGTTATGGAAGACGTTTACAGAGTGCTTTAACTGCCTGCCTGTGGCAGCTCTGGTTGA  
TGAAAAAATTTTGTGCATGCATGGAGGTTTGTCTCCTGACCTGAATAATTTGGATCAAATTAGAAATATGTCAA  
GACCAACAGATGTACCAGACGCTGGCTTGCTCTGTGATCTTCTGTGGTCTGATCCAGTAAAGATGTTCAAGG  
TTGGGGAATGAACGACAGGGGTGTTTCATTTACTTTTGGTGCTGACAAGGTGACAGAGTTTCTTCAGAAACAT  
GATTTGGATCTCATTTGTC

>trans\_c\_2129 NM\_001054125|Oryza sativa Japonica Group Os02g0651000 (Os02g0651000)  
mRNA, complete cds

TCACTTGCACTTGCACTTGCACTGATCACCGTCGTTGCTGCCATTGACAAAGCAGAGAATGGATGCTCTGAGGGCTTC  
GTATGGAGGAAGCTCGTCGGACGAAGAAGTGGATACAGTGTCCCCTTCGTCAGCATCCACATCAACACCACA

ATTCTTCGATGAGACTGTGAGCTCTTTACCTCTGCCTCCACCGCCTCTCTCACTTCTCAATTTTCCAAATTCCACC  
TGTGTCTTGGATGACTTGCCAATCGATCAGGCGACTAGGGTTTGAAGCTTTCCTCACGTTCAAGGAACTATG  
CCCTACACGTCTATATCCAGTGTATGTACCAACTAATGCAAGGAAGGAGGTGGCCTTGTTTATGAAGAAAAT  
TTCCTCACTTGTGCCTGCTCTCCATCTGGTTGATATTGACATTCCATTGGACGTTTTATGTAAAGATGACCACAA  
ACTTGAGCAAGCATTGGCTAGAGAATTTACATAAGTTTGTCAAGAACAGTGCCAATCCGAGTGCAACCAGATT  
GACTCAATAGTGACAATGCTTCGCCAGAAGCTTCAGTCCCCAAGGCGATATTGGATTGATTTTAGTAAGTGGG  
AGACTTTTGTAAACGATGATCTTTCTCGAACCTTTTTGTCAATGGAAATTATTACTGGAGGGCTAATGGAGATC  
AGAAAACAAATCCAAGTTGTTAATGAGGTTTATAAGCTCCACAATCTTCTGAATTTACAAGGAAGCAAGAC  
CGCATATATCTCTTGCCTGGGCATTAGGTGACGTTAGTCAAATATCGAGTCAAGCAGTTCATAATGAATTAATA  
AGGTCCGCAGTTAAGGAACCATTTAAGAGATGTATTTTACCACCAAATTTTATGGCATCGAATGTAAGATTG  
GTAAAAAATGTATAAAATATGTAAATTTGCTGACGAATGAAAAAATGATTGTGTGAGACATGTTCTACAGTC  
TAAAAAAAAGAAAAAAGAAAAA

>trans\_c\_2130 XM\_002877991|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AAGCCAAAGACGGGTCTTAAAGCAACTCAACGCGTCCGAGTCACCTCCCTCACTCGACTCGCTCCCTCATCTTC  
TCCGTCGCCACACCCAAGCCGAGTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGTCTTCACATAATTTTAAGAGACCC  
CATCATCGGAACTTTTGATTCAAAGCAAACCTTGTCGTTTTTGGACCTACACAGTTAACCCCATTTACTCGATT  
TTGTTCCGTTACATTACTCTGAAATCAACTAGCTGTTGCAACTATTGCGGACATGAGTTTTGTCTTCCGTGGAA  
CGAGAGTTCCAGACATTGAAAATGGTCTGTCTGGATTATACCTGAAAGGCGTGCAATGCGGGTTCATGCAGC  
ACGTCCTGTAACTCAAACCTCACTTGCTTTTCTGTACGGTCCTTTTGCTATTCATGATATTAACTCTCACCAG  
ATGTCACCAAACCTTTCTGCTCTGGCTTGGGCTTGGTGTCTTTTTGATGGCTACAACATTAAGGATGTACGCAAC  
TTGTCAGCAACTTCAGGCTCAAGCCCAAGCGAGAGCTATGGCAGCCAGTGGTCTTCTTGGTCACACTGAATTA  
AGGTTACATATGCCACCATCAATAGCACTTGCAACTAGAGGGCGTTTACAAGGGTTAAGGCTTCAACTTGCTC  
TGCTAGATCGGGAATTCGACGATCTAGATTATGAACTTTGAGAGCTTTGGATTCTGACAATGCTCCGACAAC  
ACCTTCAATGAGTGAGGAACAAATAAATGCTCTTCCCGTTCATAAATACAAGGTTTCTGGTCCTCAAAGCGACT  
CCTCTGTGAATCAGCAGGCTTCATCTTCAGAATCTAATGAGAAGAGACAAGATTCAGTTAATGCAGTTGGCAG  
TACCAAGACCTCTGAGGATGACTCACATGCAGTGTGTTGCTTGGAGCAAGTAAATGTTGGTGAACCTACATCGTA  
GTTTGCCATGTTTACATC

>trans\_c\_2131 GQ860950|Brassica napus GTP binding protein gamma subunit (GG2) mRNA,  
complete cds

ATTCCAAATACATCAACAAGAAAAAAGATTTTATTTTATTTCACTCTTTCTTTGTTTGTGTTTTAAATAATAATA  
ATTATATATAAAAAAACCACCTTGCCCTCATCATTTGTTTCCAGCTTTCTTTGGTCCATTTCTTCTCCTTTTTG  
AATGTTTTAAAAATCTCCTCACCTTCCCTCCCCACCCCTCCAAAAGAAATCCCTTTTTATTTCTTCTTCTCAT  
CTCAATTTCCCCATTTTCTCTCTGTTCTTCCCTTAATTCCCAAAATTTCTTCATCAATTTCCCATAGAAAAGGAA  
GAAAAAGAACATTCAATTTGATTTCTTACCTCTAACTCTCCAACAATGGCTGATGAACTCCACCAATCACACCC  
ACCGTCTCTCCCTCGCCGTCGCCGTCACCGCCGCCGCTCGACAGTCACCGAAAGAAGAACAAGAAGAAGTC  
AATCCAGAAATCAAATCCAAGTCTCGATGTAAGAACAACACCTTCTTTGGCAGACATAGAATCACAGCAGCCA  
TAAACAGACTCCAAAACGAAATCAATATCATCAAAGAAGAATTGCAACAGCTCGAGAATATTGGTGAATCTTC  
TACCGTCTGCGCAGGATTCTCCAGCGTTGAATCGATTCCAGATCCTTTGCTTCCAGAAACAATCGGTCCGA  
CGGATGTGAACTGGGACCAGTGGTTCCGAGGAGCTCATGGCAGTCGAAACCACAGACGGTGGATCCGATTCC  
GGTGAAAGAGGGAGATCCAGTTTTGCAATTCGCGGTTGATTTATAGGGTTTTGACATCATCTTCTTTTTTCTG  
TTGTTGATCGATTGCCGCCATAACTACAATGTGAGAAGGAGAAGAAGAAGAAGGAAAAAGTCTCTTCAA

CTTGGGGAATTGAAACGACGACGTCGCAATCGGATCGTGTGTAAAAATTTTTATTTTTCTTTCTTTGGATTA  
ATACAATTTTTTCT

>trans\_c\_2132 BT024555|Arabidopsis thaliana At2g38450 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTGTTTTTTTCTTCAAAACCCAGCAAGAGGACAACGATTTTCGTTGTAGGAAGAAGGAA  
GGTAAGAAAAACTGTTTCCCTTCTCAAATTATTATACTAATCCCTTCAAATACCACTTCATTTTTCTCAATTTCTT  
CTCCCTTTTCATGAGATTGATCTCTCTTTTAAGTTTTAACCAAATATAGAGTTTGCGGCGCTTCAGAATCTCC  
CCATATCATAAGGTCAAGGTTTCGGTTCAGTAATCGAAGCCGTTCAAGTTCAAATACATGGAGATTAGCGGA  
GGAACAGAGGGCTTGAATCGCGTTCCTTTATCAGAAGTTGTTTCTGATTGCGTCAAAAGATGGTTTAAGGACA  
CTTTGAAGGAAGCCAAAGCTGGCGATATCAACATGCAGGTCTTGGTGGGTCAAATGTATTATAGCGGTTATG  
GGGTTCTCGAGATGCTCAGAAGGGAAGAATTTGGATGACAAAAGCATCAAGAAGACGATCGTCGGTCTGG  
AAAGTTAGTGATAAACATCCAGGCTATAATGCTAGTGATTGAGATTCAGATGAATCGACTCGTGATTCTTAACT  
ACACCAGTGTGCTGATTCTCGATGTCATGTCAAAACAACCACTGGATGTGGTTTTCACTGTGGAACTCTAC  
TTGCTCAGCTATCTTTGTAGCTCTACGCATACTTGCTTCTGATTGTTGGATTGAAGGATGTAATATGCTTTGA  
TTTTACCTTTACTCTTCAAGCAATTTCTCGCACTTTCTTGTGGTCAAATTACCTAAATCTTATATTCATTTTTATT  
TTCTATCTAGGTTTCCACTTTTTATTGTCTGGAGGAGATTTTGTGTTGATTTTGCATACATGTCCAAATTTTGAG  
CTTTTTTAGTTGCCATCTCAAATTCCTATTAAGCACCGTCTTAAGCCTCTTCCAACCAACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2133 AF139468|Vigna radiata photosystem I reaction center subunit III (CipPsaF) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ACCACTAATCTCATGATCCTCTCTGAATCTAAACCGTTCCCTCCACACTCTTTTCCAAATCTCCTTCTTCTTCTT  
CCTGCAATTCCTAATCCTTCAAACCCATTTCAACAATGTCTCTCACAATCCCCACTAACCTCTCAAACCCCTCT  
TGAAGCCCAAATTGAGCTCCCCATTGGCCTTAAAGCCAAACCCCTCTTCATCCATCCTCTGCTCCGCCTTTCAA  
ATCAAAATCAAAGTCAAACCCCTCTCCTCTCTTCAAGCCTTCTCCGCTGCCTTGCTCTCTCCTCCATCCTCT  
CTCCGCTCCTCTCCCCGCCGTGCGCGACATCTCCGGTCTCACCCCTGCAAGGAATCCAAGCAATTCGCCAAGA  
GGGAGAAGCAGCAGATCAAGAACTTGAGTCTGCTTTGAAGAACTACGCCCCGGATAGCGCCCCGGCGCTTG  
CCATCAAAGCCACGATCGAAAAGACCAAGAGGCGATTTGCCTTCTATGGGAACAAGGGCTTCTTTGTGGGG  
CTGATGGGTTGCCTCATTTGATTGTGAGTGGTGACCAGAGGCATTGGGGTGAGTTCACTCTGGAATCTT  
GTTCTTTACATTGCTGGGTGGATTGGATGGGTTGGAAGGAGCTACTTAATCGCCATTAGGAATGAAAAGAA  
ACCTACCCAAAAGGAGATTATCATTGATGTTCCGTTGGCCACTAGTTTGGTGTGTTAGAGGCTTCAGCTGGCCTG  
TTGCTGCTTACAGAGAGCTTGTCATGGTGAACCTATTGCCAAGGATGTCTAATCTTCTCCTTCAGAGATAGG  
GAAAGTTGAAGAGGAATTGAGTTTTGAGGATATGGAGGGAATGGAATGGGGTTTGTGAAATATTTGTGTAT  
TTAATTTGAAACTTGAGATGAGTATATGTAATGGTTGGTTGTGTTGGATATAAGGGCAATCCATTCTTTCA  
CTTACCAGCATGATGGCTT

>trans\_c\_2134 AY062852|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AACGCGAGAGGTCGTTTGATGATGATTTTTGGCGGCGACGTTTATTTGCTGTCTATGGATATTCCTATGGATTA  
TGTGATGGGGTTTTAAGCCTAGAAAACGCGGCTGAACTTCCTCATCTTCTTCTCATCTTCTCTCCACTCCAT  
TCAATCTCTTCACGATTATCCGCATCTTTTCCCTTTACCCCTTCTTCTTACTACTCACCTGCTTTCTCAATCCAAGA  
ACAAGCAGCAACCCCATCAACTCCGCCCACCAATTATGTCAAAAAAGGGCTTGGCGGTGGAGCTGCGCTTT  
CAAAGGACGCGCCTTGGAGGGCCTCCGGAACCCATTCCCAAATCCATCATGCTCCTCTGCTCCGCATTTCC  
CAGTCTCCCTTTCCGATTACGCTCTCGCTGTAATGAAGCATCCTGATCCGATTGGAAGTGGGTGGCTACGGA  
TGCCGTTTTGGAAGCGGCTGGGCCTGATTGTATTGTGCCTGGACAATCCGCACCCGTTAAATTGCTTGGTCTCA

AGGTATGGCCCATGATGTCGATCTGAAGGTTCTTGAGCCTGTTGGCCGTGAGCTTAAATTACTTGGAAGTT  
TATGGATGATGCGGTGAGCCTCATGAACAAGTCGTTCAATTGATCGCTAGACATGGCAGTTTCAATCGATGATG  
AAAAGTTGCATAGAGGCTGCAATTTTGTGGCTCTGTGAGTGGCAACTTATCCACCGGAAGTGTCTTTTGATA  
ATTTCTCTCTTGCTACTAAATCTTCTCATGTAAAAACAGTCTCTGGCCTCTAGAAGCGGTTTCATTACTCCCGTT  
TCTGTGGCTTTTCATTGTGACATTTAATAGTGAAGTGCCTTGTAAGGGTTTTCTATGGGGTTTTGATTGATAAA  
GGTTATTGTGTAGAATAAGCATTAAATTAATGGTTCATACCCAATTTTCAACCTCGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2135 XM\_002867520|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AAGAAGCGGATAGGAAGGGTCGGGTTGTCCAGAGAAGGAGAGAGGGAGAGAGGTTCTTTTTATTATTTACC  
TCTTTGTTGTTTATAACGTTGAATTCTCTCTCTCGTTCGCCACGGCTTCCTTTATTCAATTCAATTCGCCGTTT  
CCTTGTCGGACCGACCGCACAGATTCTGGAATTCCTCAACATACGCTTCGGTTTTCAAGTAATTCCTTCTTCTT  
CTTTGTTTTCTCCTCCCATCCTTCTTGCTATTGCTTGCTTTTTTTCTCTTTCCATTCAATTTCAATTGAATCTCCA  
TCCACCCACTTTTTCATCCTTTTTCTTTGATGGTTGACCTTTAACGGCGGATCTGTGATCTGTGTACGGTTTCCA  
AGTTTTTGCGCATTCCACATCTCACATCTGATCGGACGGATTCCCCCCCCCCCCCTCACCTGCCTACATATAC  
GATTTGTGACCATCCTTTACATTTCTACAGAAAACAGAATACCGGAAGGCTGCGGGTGATCATCCCACTACTA  
CAATACAATTCGTAGAGGAGACGATGGACGAGTTAATTGCAACCAGATATTGTTGTACATGTGTTCTCAAAT  
GGTGAATCCCATCGTTGACGTGGAAATTAATGCCCTTCTGCCGCAGCGGCTTTGTTGAGGAGATAGGAAAC  
GGTATTTCCGACAATAACGATAACAACAACAATAACAATAACAATGAGCTCGAATCCGATTTTGGGTCGG  
AGCGAGCTTTGTCTCTCTGGGCTCCGATCTTGCTGGGTATGATGGGAAATCCCGTGGGCGACGAAGATTGAG  
ACATCTAGAGTTTGACGACGACGATGATGATAATGAGCATGAGGATGGAGAGGGGAATCATGTGAGTAGTG  
AGACGACTGAGCTTGATTGAGTCATTAGGAGGAGGAGAAGTTCAGCTACCATTCTTCAGTTGCTCCCAAGTAT  
CAGGGCTGGAATCGCAACT

>trans\_c\_2136 NM\_201827|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT2G28940) mRNA, complete cds

ATTCTGCAGCAAAGGCAAACCTCGTGATTCTACCAATCTTCTCTCTATAAACGACAATGGCCCAAATTGAGAA  
AATGGGTTCTTTCTCTCTTTCTTTCTTTCTTTGTGCTGTTACCTAACGCTCTTCCATTTTCAAATTACAATATGT  
AAACGCTCAACCAAACCCACTTGGTCTTTTTCCCATCTCTTCTTTCACTCCTTCCATTTGACCAACCATCCTC  
TTCCTCACAACCCCTTTTACCCCTTTCTGGTTTTCCAATTTGAGATTCTGCAATCCAGAAGTTGTTTTCAAGC  
TATGAAGTGTTTTCACTTCACCAATGGCGAGAGAAGGGATGATGAAGATGGGGTTGTTTCTAGAACTCAAAG  
GTCTCTTGGGCTCGCTCGCTTAGTATGGCTTCTAGCACCTTTGATACTAGACGGTCTGAGTTTGATTCTGACTAT  
TCTAGGGATTTTTCTGACTCGATTGGGTTTTATGAGTTTCTGACTACCGTAGGGCGAATGATTTGCGGGTTTT  
TTCTTTTTCTGAGTTGAGATCGGCCACTCGTGGGTTTAGTAGGGCGTTGTTGATTGGAGAGGGAGGTTTTGGA  
TGTGTGTTTAAAGGAGTTGTCAATGGTGATTCTAATTCCAAGTCGGATTTGAAGATGGAGGTTGCTGTTAAAC  
AGCTCAATCGCAATGGCTTCCAGTATTGAGGGGCATAAGGAATGGATCAATGAGGTGAACTTTTTGGGAGTG  
GTGAAGCATCCAAATCTTGTAATTAGTTGGATATTGTGCTGAAGATGATGAAAGGGGAATGCAAGGCTT  
TTGGTTTATGAGCTTATGCGGAACAAGAGCTTGAAGATCATCTTTAGCTCGAGTATCTCCACCATTTTCATG  
GATGGCTAGGCTTAAATGCTCAAGATGCAGCTCGTGGCCTTGCAATCTACATGAAGAAATGGATTTTCAG  
CTAATTTTCGCGATTTAA

>trans\_c\_2137 FJ040205|Catharanthus roseus jasmonate ZIM domain 2 mRNA, complete cds

ATTTTTAAAAACACGTGCTTTTAAATTTCAAATATATAATTTTCAAAGACAATCCCAACAAAACACATCAAAC  
AATTCATTAATAAACAAGAAAATGCTAGGAAGGTAGCTCTTCTTTATATTCTTCTCTCATCTCCAAAATTGCAA



TCATCTAATCAAATTTGGAACACCCAAAGAGTTTTTCAGATCTCCAAATTCAAGTTACACTTCGAAATTTCCATA  
CCTTTTTTCTTTTTAACTTCAATTCCATCATGTCTACTACCTCCGACAACGCCGGCGCCGCACGGAGGTCTGGC  
AAGGTCCCGGAGAAGTCCAGTTTTGCTCAGACTTGTAATCTGTTGAGTCAATACTTGAAGGAGAAGAGAAGC  
CTTGCAATTACTCCAAGGATTGAACCAAAAGATGAGTTTTCCGACGACTCGACCACCGGTGGTAATGAATTTTT  
GACGAACATGGAATCCAGATGAGAAATCTGCCTCTGTGGCGGCGGCGGACTCTATCCACCAGCTGCAGA  
GCCGCCCTCTGCCACACAGATGACCATTTTTATGACGGAAAAGTGTTGGTGTTAATGATCTACCGTCGGAG  
AGGGCGGAGGAGATCATGGCCATGGCCGGTAAGGGAATTGCGCCGTCTTCAAGATCTATCGCCACCGCCGTT  
TCCGACAACGGCGGAGAACAACCTCTGACGAAAGTCTCGAGCGATTTACCCATTGCAAGAAGAGCATCCCTG  
CATCGATTCTTCGAGAAGAGAAAAGACAGAGTTGCAGCAAGAGGTCCATACCAAGTGAATTTACAAGCTTCTT  
CTAAACCGAGTGGAGAAAGCTACAGATTGAAGAAGGACGAGCAATCTTGAAGCAGTTTGATTTAAATTTAT  
AGGAAAGATTAATTTTATATGATAGTTAAGATTATTGTTGTAAAATTCTGACATTACAATTAATGGATGGGCTC  
GATCCACGGGCGAGTGTAATCGACTT

>trans\_c\_2138 DQ097724|Arachis hypogaea calcium-binding pollen allergen mRNA, complete cds

AATTGGTAATCAACAACTTGCAACCAACCTGAAATCCCCATTTTCCTTTACCCGTTTCAATTTCCCCTAAATC  
GACAATGCTCAATTTCTCCTTCTTTCATCCTCAATCCTCCGATTTTCATTTCTTTCTGATATCGGTTTTGGTGTT  
GTAATTAATTCACTGTTCTTCGAGCAGAGAGAGAAACAATTCAACCATGGGATTAGATCTCTGTTCCG  
AAAAAGAAACCTTCTCCTCCGTTAATTCTCCGCTCGTTTCCTCATCCTCCACACTCGGATCTCGATCCTCATT  
GATGGTTCAGAAATCTCAGATCGCAGAACTCGAGGAAGTATTCAAGAAATTCGATGTGAACGGTGACGGAAAG  
ATCTCGTCTGCTGAATTGGGCTCGATTATGACAAGCCTAGGGCACAACGCTACAGAGGAAGAGCTCGGGAAG  
ATGATAGAGGAATTCGATGCCGATGGTGACGGATTCAATTTGCACGAATTTGTGGAATTAAATACTAAAG  
AAATCGATCCGGAGGAATTATTGGAGAATCTGAGAGAGGCGTTTTCGGTATATGATATCGATGGAAATGGAT  
CGATATCTGCTGAGGAATTGCATAAGGTTCTGAGAAGCTTGGGGGACGATTGTTCCGGTAGCGGATTGCCGGC  
AGATGATCAGCGGCGTCGATAGCAACGGCGATGGAATGATTAGCTTTGAGGAGTTCAAGGTGATGATGTGCA  
CGGACTCTCCGTTGCTGGCGGCTGAGTTTGAACACCCGCCGGTGGATTTCAGAGGAATTTGCCAGAATTTG  
GATCTTTTTTTCTTTCCGTTCTGTGTCTGACAAAAGTACCGCAAGTTCTTCCACTATTCTTTTTTCAATATTT  
CTTCTTGTGATTTATCTTTTTCTTTATCTTTCTTTATAAATGAAAGCCCTAATTTTTATTTATTTATAAA  
AATGAGATCTTGTTGCA

>trans\_c\_2139 NM\_001062222|Oryza sativa Japonica Group Os05g0446300 (Os05g0446300)  
mRNA, complete cds

TCCCCCTGTTTTAGATCTGAAACCGCTCTCCTTCTCGAGCCTTCCTCTCTCCGATTCTCATTTTCTTTCCACTAA  
TCTCTCGCAATTTTATTACCTTTGCCATAACTTTGCTTTGATATAAATTTTCCACTTCAACTTCCCGGGGAGAGTT  
GATTCAAAGAACCATCTTTTTAACTTTCTCCTTTCAATCTCTTTAGCTACACTCCGATCCCCTCTCTCTCGGC  
TTTCAAATCTTCCGGTATCTTCATTCACCCGCCGACAAGGAAATTTTCCAGACAAAAAATGCCCAAGATCAAG  
ACAAACCGTGTCAGTATCCGGAGGGATGGGAGCTAATTGAACCAACTCTCCGAGAATTGCAAGCTAAGATG  
AGAGAAGCCGAGAATGACCCACACGATGGTAAGAGAAAAGTGCAGACTTTATGGCCTATATTCAAATAGCA  
CATCAGAAAAGCCGCTATATCTTTGATCTTTATCATCGAAGGAAGGAAATATCTAAGGAATTATTTGAATTCTG  
TTTGACCAAGGCTATGCTGATCGTAACTTAATTGCAAAATGGAAGAAGCCTGGTTATGAACGTTTGTGCTGT  
CTAAGATGCATGCAACCTCGAGATCACAACCTTTGCGACAACATGCGTGTGCCGGGTTCCCAAGCACCTGAGGG  
AGGAGAAAGTTATTGAGTGTGTGCATTGTGGTTGCAGGGGCTGTGCAAGTGAGATTGATACCTTCTCCTCGT  
AGTTTGTCTCTGATTATGACTACAGACGCTTGGATGCTGTGTTTACTCTTGGCTTGTAATTTGGTAAAAGC  
TCAAATCTAACATTTGCACTAGAACTTACTCTGTTTACTTGTAGGGGCATCGAGTTGCCGTTAACTGGG

AAAGATGATAGTTCGTATAAAATATTCTTTTCTCTTGGGTATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2140 NM\_120752|Arabidopsis thaliana WCRKC1 (WCRKC THIOREDOXIN 1) (WCRKC1)  
mRNA, complete cds

AAATGTTGAGGGAGGGGGACCAAAAAGAAAATGTGTGGATGTGGGCCCCAACTCCCATCCCATCCCATCCC  
CTCTCACTTTTTGCTCCTTCACCTTACGGATAAGGACTCCAAAGAAAGAAAAAAAAAACTTTCCCTTCAACAGT  
TCCACTCCTTCTACTCTCTCAATTTCAAAGAAATAGAGAGAAAGAAAACCCTAAAAACAGAGAGAGAGAGAGA  
CACAGATATGTATGTTTTGGGTGCAAGTAGTTCTCACATTCTTACGCACAACCTTCACCAACACCAGTTTCTAAG  
CAACGGGAAGCGTTGTGGTTTTCTCAATACAGATTTTGGAGATCACCGGCGGAGGGAGCTCCGGATCAAGGC  
CGAGGCCGGCTTTTGGCCGGATTTGTCAAGACCAGCGTCGGTGGAAATGGAATCCATTGACGATTCCGATCA  
ACTCGATCGGATTTTGTCCACGCTCAACAACCTTTCTCAACCAATTCTTATTGATTGGATGGCAACTTGGTGTA  
GGAAATGCATCTACTTGAAGCCTAACTCGAGAAGCTTGCTGCTGATTATGTTACCAAAGTAAAATTCTACTAT  
GTAGATGTGAATAAGGTCCCTCAATCTCTGTAAAACGTGGAAACATCTCTAAATGCCAACAATTCAGCTTTG  
GAAAGATGGAGAGATGAAAGCAGAAGTAATTGGAGGGCACAAAGCTTGGCTTGTGATTGAAGAAGTTAGAG  
AAATGATCCAAAAGTTTGCTTCATAATTTTCTGTCCACAACACTTTCTTTGTTCAATTATTATAATTACTTCATCTT  
CAACCTCCCCTTAACCTCAAATTTCAATTCTCAAATTTTTATTATATAATATACATCCCCATATTTGTAAAACCTTA  
ATTTATTGTACATATATAACAATATGTTTATGTCAAATCTTGACACCTCTGTAACCTTAAGGTGGTTACACGTAA  
TCAATCACATATGTTTCTC

>trans\_c\_2141 Novel Gene

ATGAAAGAGTCTGTATCAGCTCCTCGAGTATCCCTTTCTAGGGTTTATTCAGACTCGTTGATGATGGTGCAATT  
TTCTGCCAAATCTTCATCACCTTCAGCGTCTTCTCTGTCGTCGTCATCTTCTTACCTATCTATCTTTCGCCAGACT  
CCATCTCTTCTGATTCAAGTTCAAGTTCAAGTTCTACTTCCAAGTATTTTTCAGAATCCTCTTTAGATTCTCCATC  
TGCTTCTTCACCTTCAGTTTCAGTTTCCTCACTGTCCAGTTTCTTAACATGTCTCTTGTCTCATCCAATAGTTCTC  
CAGAACACATGCCCAATGTTCCAGAACTCGTGATACAGTCCCTTTGGAATCAAGTTCTCGTTCATTTTCAATCC  
CGTCGAAAAAGTTCTCACCTTCTCTCGCAGAACGTCGTGGTACTGCAAAATCTCTGACATTGCCTACAATGCCT  
AGTAAAATCAAAGCAACAAATAGTGCCTCAAGGTTTCTCGCTACTCAAGAAGAAGTTAAGAGGAAAAACAAG  
ACTTCTTACCCTCTTAATGTATCAATTAATATGAAAAATGGCTCAGACTCTATGGATAGGATTGAAAATGAACA  
AACAAGTTCCACTCAGAATTTCAAGAATATTGGAAATAGAATGGAAATAAGGGTAGGTAGTGTGGCCTCGTG  
CCAGCAGGAACTAAAGTTGCTGGACAATCTGCTGGTTCATGGAAAAGCTATCCCAAACCTTTTTGAAGAAGGC  
ATGGTGTCCACTTTGTCTAATGGGAAGCAAGATGGTGAGTTTGTCCAACCTATGGTATACTGTTCCGCCGAGT  
TAGAAAAGATTGCAGCTTTTGACACAAGTTACCTCAATTCTAAAGCTGCTGTAGTGATTTTCTCTCCAAGTAGG  
TATTTAGGCAAGAAGGATGACATGATGCTGTATTTGGGGTAGGAAGTCTTTTGACCATGATTTATCTCAG  
GTTTATGTAAAGAGGG

>trans\_c\_2142 AF061157|Vernicia fordii negatively light-regulated protein mRNA, complete cds

ACACAAACACTGTTCAATCGGAGTGTGGATTTTTAGGCGGAGCAGAGAAAAACAAATCAGTTTAACTGGATT  
GCTTTTGATCCGTCCTCGTATCCTCCGCTTCTAATATATTCATCATTTCCGATTGCGATCTGATTCTCCGTAATT  
TATATACCGTTCACTTTCAACTATAATTTTGGTAACGAAGGGGAACAATGTCAGAAAAAATTATCGAGGATGT  
AAAGGAGAAAGTAATTGACGATGCTACTCCTAATAATCAAGACCATTGTGAGAAATCTGAGGAACAAATACC  
AGGTCCAGATGAGAAAGTGAAAAATCCTATGCCTTACCAGCAGCAAGAGGAGGAAACCATCAAGAAGAAGT  
ACGGAGGAATAGTGCCAAAGAAGCCTCTTTGATATCAAAGACCATGAACGTGCCTTTTTTGATTCTGCTGA  
TTGGGCACTAGGGAAGCAAGGAGGAGCTCAAAAACCTAAAGGACCACTTGAAGCACTCAGGCCAAAGTTGC

AGCCAACCCACATCAGCAAGTCCGTTCAAGACGCTCGGCTTATGCTCCTGCCGATGATAGTGAAGGGAATGA  
TGGCAATATTGACCCCGCTTCTGAGGATCAGCAATCCACATTAGAAAGCGGCTGCAATGACCACGTTTCTGAA  
GACAAAGTGTGCAAGGAATAACTGTCTGGACGAAAGAACTTGATCTACTTAGACCGAGCAGCATTCTGAAGT  
CCTTGAATGATGCCAATAAGTGATACATGCTGAATTTAAGCTTCACTTGTTATGATTGATCATTTAATGTGGG  
ACGATGCAATGCTTCTATGCTTTAAAGTTATGAATTCAATCCTTAGATTGCATTGAGAATTATTACAATCT  
TACAGTTGGCTCTTGCTAGCCCAAGTGCTTTCAATACAAATGTTATACACAAATATACCTTCTGTCTTAAGGAA  
GAATTAATACCCACCATGGTTTCCTATTCT

>trans\_c\_2143 NM\_001065816|Oryza sativa Japonica Group Os07g0245100 (Os07g0245100)  
mRNA, partial cds

ACTTATATCCTTCGCTTTCACATACTCTTTTTCTTTTTCATTTCTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCT  
TCTACAGTCTCTTCCATCTTCCCCTTCATTCCCTCCCATTACTTATATACCTTGATTCTTCTCTCTCCATCCCAA  
CTTCAACTCTCTCTATTTTCTCGATCCCGATCATGGCCGATTCTTCTACTGTGGTGGGAAGCTATTGATGGAACTA  
TTTCTGTAGCATCTGCATTTGGGTGTCATCAAGAAGCTGTACAAGACAGAGACCACAAGTTCTTGACACAAGC  
AGTTGAAGAGGCTTACCAAGGAGTTGAGTGTGGAGATGGAAGTCCTTTGGCGCGGTTGTTGTTGTAACGA  
TGAAGTAGTTGTGAGCTGTCATAACATGGTTAGAAGAAACACCGACCTACAGCACATGCTGAAGTCACTGCA  
GTTAGGGAGGCTTGCAAAAAGCTCGGTAAAATCGAACTTTCAGACTGTGAAATCTATGCATCTTGTGAGCCCT  
GTCCGATGTGCTTCGGTGCCATCCATCTTTCAAGAATCAAGAGATTGGTTTATGGAGCAAAAGCAGAAGCTGC  
AATTGCCGTTGGGTTTGATGATTTCAATTGCTGATGCCATAAGGGGGACTGGGTTTTATCAGAAGGCTCATTTG  
GAAATCAAGAAAGCTGATGGGAATGGTGCTGTCATTGCTGAGCAAGTATTTGAGAAAATAAGGAAAAATTT  
CAATTGTATTAATAATTATCCTTTTATTTCTTTTTCTTTTTCTGTTTCTTTCTGCTAAAATAAATAAATATCAA  
AATGTTCAATTACATCTAATTCATGGAACACTCATGCATTTGTAGCTTTAATTTAACTTTTTCAATCAAACACATTT  
TCTGTCTCTTTAAATTGTTAATATCAATGCTATGCCAATCTTAATTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2144 HQ449727|Sonneratia caseolaris microsatellite Sc\_SSR\_18 sequence

AGAGAAGAGAATTGGCCAACAAGCTTTTTGGTCATGTACTTACACTGAGTCTTCAGATGTATGGTTGTGAGT  
GATCCAGAAGGCAATTGAAGTAGTAGATCTGGACCAAAGACTAAAATGGTTGGGGAGCTTGATGGGCATGT  
CATGCGCTGTGTACGGGATCAGAATGGGAATCATGTTATACAAAAGTGTATAGAATGTGTCCAGAGTCAGC  
AATCCATTTTATAGTTTCAACATTTTTTGATCAAGTTGTGACGCTCTCAACTACCCATATGGGTGTCGTGTGAT  
ACAGAGAGTTCTTGAACACTGCAAGGACGAACTACTCAGAGTCGAGTTATGGAGGAAATTCTAGGATCTGT  
TAGCATGTTGGCACAAGATCAATATGGAAATTATGTTGTTGAGCATGTATTGGAGCATGGAAAATCTCATGAG  
CGTTCTGCAATTATTAAGGAATTGGCTGGTAGAATAGTACAAATGAGTCAGCAGAAGTTTGCCTCTAATGTTG  
TCGAGAAATGCTTAACCTTTGGTGGTCTACAGAACGCCAGCTGTTGGTGAGCGAAATGCTTGGGACTACAGA  
TGAAAACGAGCCCCTACAGGCAATGATGAAAGATCAATTCGCAAACTATGTTGTCCAAAAAGTGCTTGAGACT  
TGTGACGACCAACAGCGTGAACCTGATTCTCTCTCGAATCAAAGTTCATCTCAATGCACTGAAGAAATATACTTA  
CGGGAAGCACATTGTTGCCCGCTAGAGAACTTGTTGCGGCTGGAGAAAGGAGAATTGCAGCTCAGTCTTC  
TCCACACCCTTCTTTGGTGACTTAGGAAAGAAAATATGTACAGCTAACCGAAGCAACCGCCAGAACGAGCGAG  
CAAGCTTCTTCGACTCTTCCACTCCCTTTCCGTTTTATGATCTAGAGCAGTAGCTCAACCTCCACCCCTCACCT  
CTCTGTGAGACAGGTATGAGCTGATTGAA

>trans\_c\_2145 BT011799|Arabidopsis thaliana At3g29590 mRNA sequence

CTCTCTCTTTTAATTCTTTTTTAATTTGGTGAGGAATTGTGCTCCTTCCAATGGAGGATGATCGTGAATGTTTG  
AAAATAGTTGAGATTTGTAGAGTTGCTCCTTTCTTCTCTATGTTACCTAAATTTCTCCTCTCACAAATCTTTG

ACATAATACTCCTTCAATGTCCTTCCATATCTCGCCTTTACTTCTATCAAACTCAATCACTAACAATAATAATGT  
TCTTCAAAAATAAGCACTCACTTTCTCTCATACTCACTCACTACCTTCCTCTTGCTGGCAACCTAATTTGGCCC  
CAAGACTCCCACAAACCCATCATCCAATTCCTCGAAGGCGACACCGTTTCACTTACCGTAGCCGAGTCATCATC  
CGACCACGACTTTCATATCTCTCTGGTGATGGCTTTCGTCTACAAGCCAAATATTGCCATCTTGTACCCGAATT  
ACCGATGGTCGACAACCGTGTTGCAGTCATGGCTCTCCAACCTACCTTTTTCCAAACAAAGGGTTTTCCATTG  
GAATAACTACTCACCATGGTGTGTGGATGGAAAACTTCAACTTCCTTTTTCAAAGCATGGGCTCATGTTTGC  
AATAATAATCTTGATATCACCCAACCATCTTCATTCTTTCTATGATAGAACCACAATTCTCAATTCCACGTCTC  
ATCTTGAACCAACAAGCTTGAACAAAGACTTAAATTTACGATTTTCATTTCAAACAAAACCCGATTGGTTTCGA  
TACACTTTGGAATTAAGAAGCCAAGACCTTCAAAAACCTGAAGAAATGTTTTGATGAGTGTTCTAGTTATAAG  
GCAACCGTAGCTTACTTATTAGTGTGTAGTGCAAAGATGAAGAGTGTTTAAGAGATGGAAAAATATATTGCA  
CTTTTCCTGTGGATTTAAGGTCTCGTGATCATCTCCTTTGCCTTCAAACCTATTCGGGAATTGCATAATTGGTC  
GTTTGTTTT

>trans\_c\_2146 NM\_114965|Arabidopsis thaliana FG-GAP repeat-containing protein (AT3G51050)  
mRNA, complete cds

AACATGGAAAACTTTCAAGATTTGGCCGCACTCCAGACATGGCATCTTTAGAGGTCGCGACTCCTATTCTTATC  
TCAAGAAAAGATGGTCACAGGCATCGCAAGGGAAGCCATGGGGATGTTGTTTTCTTGACTAATCGGGGAGAG  
GTAACATCATATTCACCCGGATTGCATGGTCATGGTGCCGATTGGCAGTGGCAGATCACAACAGGTGCTACTT  
GGTCAAATCTTCCATCACCATCAGGAATGATGGATGCTGGCACCGTGATTCCCACACTGAAGGCTATCTCCTTG  
CGAGTGGGCACCACTCAAGAAATGGTCCTTGCCGAGGAGAACAAGAAGCCGTAGTAATATCTCCAGGAGGA  
AGTGTAACAAGCGTCAATTGAACTTCCCGCCTCACCACCTCATGCCCTCATGCCGAGGATTTCTCAAACGATGG  
TCTTACAGATATTATCCATGTGACCTCCACCGGTGTGTATGGCTTTGTCCAGACAAGGCAACCAAGGGCCCTCT  
TTTTCAGCACGCTTGTTGGTTGCCTCATACTTGTAATGGGAGTCATATTTGTTACACAACACTTGAATTCTATAA  
AGGGAAAGCCAAGGCCTTCAGCCAGTCGGTAAGTAGTAAGAAACAATCAAATCATATGTTTTGGTTTAAAG  
ACACTAACGGAGGATCAATGTGAATCATTGGAATCATTTTTCGTATATTTTGAGATGTAATTTAACAAGATAGT  
CGTAGATTGTAAACCTATCAAAAGTTTTCTACCTTAGTTTTATTGCAGATTCCTTCTCCCCACTTCCAACCTCTGT  
TAATTAATTAATCAGAACATTTTAGTATTGCAATTTGATTGTCAGTCCAATCAAAATACTCTTTACATAATAGT  
GTCATCAATCACATGCCAATATTGTTGAGAAATAGTTGAAAACAGCTGGATATTAACCTTTCACAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2147 NM\_129312|Arabidopsis thaliana SLT1 (sodium- and lithium-tolerant 1) (SLT1)  
mRNA, complete cds

CATGAACGGGCACTCTCGCCAAGGCGAGCCTCCTTTTCATTTGGTGCTGAGAAAGGCTTTGTTGATCACATA  
GAATGCAACGAAAGCATTATAGGGGTCTCTCAAATCCTCAGTGTGTACATGGGATTGAGGTTGTTGCATCTCC  
AAATCTAATGTCTCTCGACGAAGAACTACGAAAAAGATGGGTTGAACTAACGGGTAGAGACTTTAACTTCACT  
ATACCACCTGAAGCAAGTGATTTTAGCTCATGGAGGAACCTTCCTAGCCCAGATTTTGAACCTTGAGAGGCCAG  
TTCCTTCTGTCAAAGTGCTTTAAATCCTCAACCAAAGAAATTGCTCAATGGATCTACCCTAAATTTGTCAAACC  
ACAACGTGATATGATGGATTTATCGCCTGTTACCAGCAAGAAAAGAAAGAGTTCATCTCCTAATATGAATGA  
TGATGATTGCGTATTGATGGTCAATCCCCCGACTGGATTTAGATATGGACAAGCACTCGAATGGTTTGCAG  
TGTTTGAACGACTTTAGCGGAGTTATGAAAAACAGTTATGGGCCTGTTACAGCTGCGAAGTCGATATATGAA  
GATGGTGAAAGTTATTTAATAATCATATTTTGCCTTTGTGGATCTACAAAGGGTCAAAGTTTCTGGAGGAA  
TACACTCACACATGGTATCATAAAGGTTTCTTGTGTGAGCACATCTTGCGTACCGTTCATCAAGAGGCATGATA  
GAACCTTCAAGCTTTTAGATTATCTACCGAACATTGTCCCCAGGTGAATTCGTGCGGGAGATTCCTCTTTTG  
ACTCGAATTCCTGAAGATGCTAATATCGAAGCATACTACGATGGACCGGGATCTGTTCTTGAGATTATGGTTCC

>trans\_c\_2148 NM\_102593|Arabidopsis thaliana VQ motif-containing protein (AT1G28280) mRNA, complete cds

>trans\_c\_2149 AY058185|Arabidopsis thaliana AT5g54540/MRB17\_4 mRNA, complete cds

>trans\_c\_2150 AY133526|Arabidopsis thaliana At3g19540/T31J18\_4 mRNA, complete cds

CAATGGGAAGCTTGTATGGAGGCACACACCTTGGCTTGGTGCACATCGTGCTAAAGGGCCAGTTAGACCTTTG  
CGCCGTGCGCTTCAGGGACTTGATCCCAAAACAACCTGCCAGCATGTTTACCAATGCAAGATGCACTGGGGAG  
AAGAAGATAAATGATGAGGATTGCTTCATCTCAAACCTCTGTGCAGATCCCGCAACGTTGAAGGCGAGGAGC  
GAAGGGCCAGCAGAAATTATAAGACATGTTTTATTTGGTTATTTTCAAGTCAAGAACTGGACTCCTAGTGTACTT  
GGAAGACTCCCACTTGACTCGCATACAAAACAATGGAGGTGATGCAGTTTACTGGGAGACCACAATCAATTCA  
TTTCTCGACGATCACCGACCCGTTGAGGGGATTATGATTGCACACTCGGGACGCTCGGTAGTAACCCCTCTTCA  
GATTTGGAGATACTGCAATGAGCCACACTAAGACTAGGATGGAAGAAGCATGGACAATTGAAGAAGTAGCAT

>trans\_c\_2153 NM\_127910|Arabidopsis thaliana XLG1 (EXTRA-LARGE G-PROTEIN 1); guanyl nucleotide binding / signal transducer (XLG1) mRNA, complete cds

TCAATTAGTGGAAGAGTTGTTGAAGGATGAAGCCTTCCAAGCCACATACAGTCGAAGGAACGAACTAGAAAT  
GCTCCACGAGTTGCTACTTATTTTCTTGATCGGGCGATTGACATTTCAAGCATAGAGTATGACCCTTCTGACA  
ATGATATCTTGTACGCTGAAGGAATCACCTTGTGTAACAGCCTCAGTAGCATGGAGTTCATGTTCCCTGAGTCA  
CGACAAGACTCCCTTCTCGACCCTCCTTATCAGCACGATCTGTCAATAAGGTACCAGCTGATTCGAGTCCATTC  
CAGTACCCTAGGAGAAAAGTCAAATTGTTGGAGATGTTTGACGACATAAAAATAATCTTATTTTGTGTCGATT  
TGACAGACTACGATGAATTTGATGAGGATGATAACGGAGTTCTAACAAACCGAATGATAGCAAGCAAGCAAC  
TGTTTGAAAGCATTGTGACACATCAAGCCTCAAGAGGAAAGAACTTCCTTCTCATACTCAACAAGTTTGATCTC  
TTTGAAGAAAAAATCATCCAAGTTCCTTCTGCTCAATGTGAGTGGTTTGTGACTTCAATCCAATGATCACC GG  
AAGAAGTAGCAGCAGCACGAACCCGACATTGGCACAACGAGCGTTTCAGTACATAGCAGTGAAATTCAAGAG  
ATTGTTTTGTTCTTTGACAGATAAAAAGTTGTTTGTTCACAACTACAGGGATGGAGCCTGAAAATGTGAATG  
CTGCTTTGAGATATGCAAGGGAAATAATCAAATGGCAAGTTGACAAACCTAACATCAGCATTACCGAAGTTTC  
ATGTACCAGTGTTGATGCAAGCAGCTTCACATAGCTAATCAAATATTTAAAGAATGCATTGTATATTTTCATTGG  
TTATTTCTTATAGAATAAAATAGTGTAGCACAAATTCAAGTGCTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2154 NM\_106295|Arabidopsis thaliana oxygen-evolving complex-related (AT1G76450)  
mRNA, complete cds

ACAAATGTAGAACATTGTACAAAGAAAATCCATCTCTAATCCTTGAGTGGACTACAAGCATGGCGATGCCCTC  
CCTTCTTTCACCCAGCGCTCTAATCCAACGCCCTCACTCATTCCGCTTCTCACAATCATCACTCTCCAATGGATT  
TCCATTTTTCTATCCGCTCAACGCTCCGAGTTTTCTGCTCTGCCAATAAAAAACCCAGTTATTTGGCGAGCAGA  
GTCAACAGACGAGAAATTATGCTAGGGATTGGATTACCGCATTTTCATTGCAAGAAGTTGTTTCTAATGCTCC  
AGCTGAGAGTGTTGTGGTTGCTGAGGATCATCGGACGTACACAGACGAAGCGAATAAGTTCAGCTTGGTGAT  
TCCTCAAGATTGGCAAGTGGGTAATGGTGAACCGAATGGATTCAAGTCGGTTACGGCATTTTTTCTCAAGAA  
ACTTCAACTTCCAATGTCAGTGTTGTAATCTCGGGGCTTGGTCCTGATTCACGAGGATGGAATCCTTTGGCAA  
GGTCGAGGAATTTGCTGATACATTGGTGAGTGGACTGGACAGAAGCTGGAAAAGGCCACCAGGTGTGGCGG  
CAAACTTATCAACTGTAGATCATCGAAAGGGATATATTACATAGAGTATACACTGCAGAAATCCAGGTGAAAG  
CCGCAGACATTTATACTCGGCAATTGGGATGACATCCAATGGCTGGTACAATAGACTTTACACCATAACAGGA  
CAGTATGCAGATGAAGAATCGGCGAACTATAGCTCCAAAATTGAGAAGGTTGTCAATTCCTTCAGTTTCATT  
GATGATTGCCACAGAATTGGCTTCCACTACACCATTCAATATGGGTAAATATTTTCCACTTCTCTCTCTCTCT  
CTAATTATTATTATTCATTACCATTTCTATTATTATTATTAATAGTGTTGTTTCTAATCTACAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2155 AJ010811|Populus tremula X Populus tremuloides mRNA for Homeodomain protein  
HB2, partial

TGACGATCATCTCCATCACCTCACTGGAACAACGGCCGCCGGGGCTCTCTACGTCAAAGTCATGACCGACGAC  
CAATTGGAGACTCTTCGCAAACAAATTGCTGTTACGCCACCATTGCGAGCAGCTTGTTGAGATGCACAAGA  
CCCTTACTGCTACCCAGGATCTCACAGGAATGAGGTTGGGTAATATGTAAGTGTGAACATTGATGACATCTTCC  
AGCCACAAAATCACTTCTAGACAGAGGTGGACTCCGACACCTGTGCAGCTTCAGATCTTAGAGCGTATATTGG  
ACCAAGGGAATGGGACTCCAGCAAGCAAAAGATCAAAGAGATAACCGCTGAACTGGGGCAGCATGGCCAA  
ATTTCTGAATCTAATGTCTATACTGGTTCCAAAACAGGCGTGCTCGATCGAAGAGAAAGCAGCAAAGTGCCC  
CACCTGCCTATGGCGAATCAGAAGTGGAGACAGAAGTTGAATCACCAAAAAGATAAGAAGACGAAACCTGTGG  
ATTTTCAAATAATCAATCCTCTGCACCTTTAGGGGACGACATGTGCTTTCAGAGTCCGGAGATGAGTTCTGAA  
CTGCATTTCTGGATCCAAACACCAACAAAGCTGATACTTTGTTTCCTTCAAATGGAAGTTTAAAAACGGCAAG  
AAGCTTCGGCCAGATGTCTTTTATGAGGCTGGGAATGAGCAGCTGACAGGAAAGATTGAAACGCCAGAGAA

CTATAGTATCTACCAGCAAGCAGAAGGCTACAACATGACGGGACGACCATGAATTCTTACACAATTAACACGA  
GGTGTAGTTGTGATATTACGAATGTGCTGGACTTCTGGCTCTCGTGTGAATGCACTTAGTCTAACATTGAAGG  
AGACGGTGATGACGATGACCAATGATGCTGACTTGTGTGCTCGTATCTTGTCTGGATTGTCTGGAGTATACAG  
TTTTGAGTGATGTATTTTGGTTGGATTGTGT

>trans\_c\_2156 XM\_002865783|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat  
family protein, mRNA

TTGCGTCATTTAGTGAAATCAAAGAGAATTTCATAGAAGAAAATGGGGTTATGGTTCTTTTGGGACTTTTGGC  
CTCGGGAACTCCGTTGGCCCAAGAAAACGCAATTGGGTGTTTGTGTAATTTAGTTTTGGACGATGATAATCTG  
AAACTCTTGATTGTTAGAGAAGGTGGGATCGAGTCTTGAGAAATTTCTGGGATTCTGTTCCATCAGCTCGTA  
GTCTTGAAGTTGCTGTGGAGCTTTTAAGCCTCTTGGCTTCTTATTCTCCAATTGCAGAAGCTCTTATTTCCGATG  
GATTTGTCGATAGACTTCTCCAGTTTTGAGTTGCGGAGTATTAGGTGCTAGAACTGCAGCAGCTCGAGCAGT  
TTACGAACTCGGATTCTGCACGAAAACGAGAAAAGAAATGGGGGAATCTGGATTCACTACACCTTTAGTTAAT  
ATGTTGGATGGTAAATCTGTTGATGAGAGAAAAGCAGCTGCTAAGGCATTGTCTTCTATTACAGTACTCTG  
GTAATAGAAAAATTTCCAGAAAGAAGAGAGGGGAATTATAAGTGCGTTCAACTCTTAGACCCTTCAATCTC  
GAATCTGGACAAGAAGTACCCTGTTTCATTATTATCTCAGTTGCGATTTCAGCAAGTGTAAGAAAGCAAATG  
GTTGCTGCTGGTGCTGGTTTGTATCTACAAAAGCTTGTGAAATGAATGTTGAGGGGTCAAAGAAGCTATTGG  
AAAGCCTTGGGCGTGTTAAATCTGGGGTGTCTTTGCTAGATCTTAGCCCATCAAGGAGGCAATTTTCAAAA  
TTCTGTTTAATGTATAGGAACAGAAGCATGATTCGCTGTATGTACAATATATGTTTGTATATTCTTAGTTTAAAT  
GGGTGTTGATTTTATGTTTACAAGTTAATAATCTTTTATCTGTTCTTTATGTGGTAGAAATGTCAAATGCTGC  
ACCATGCCAGCTGAATTTGAGCAT

>trans\_c\_2157 X79778|M.truncatula PR-1 mRNA

ATCATCCTCTAAAATAATAATTCCCCAATCAAATTCAGCTCTTCTCCAAAGAGCTCAATTTGAAGGAGGAGAAA  
TAAAAAATATATATAAAAAATGCATGCACATTTTCTATTATTATCCCATCGCCACTATTCTCCTCTCTTAACCT  
CCACTGGCTGCACCGCCGAGCTCGGTCCAGGTCCGACAGAATTCTACAAAAGCAATTCCTTGGCCCTCACAA  
TGCTGCCCCGATATGCCCTCCGATTGTCCCCCTTAGTTTGGGACTCCAAATTGGCTCGCTACGCTCAATGGTACG  
CCAACAAGCGCCGGGGGGACTGCGCCCTCCGCCATTCTGGGGGCCCTTATGGCGAAAACATCTTCTGGGGTA  
GCGGCAATGAGTGGACTCCGGCTCAAGCCGTGGCCGATTGGGTGTGCGAGCGAAAATGGTACAGTTATTGG  
GCAAATTCCTGCGTTGAGGGTGAAGTATGTGGTCATTATACTCAAATTGTGTGGCGGTCCACTCGGCGGATTG  
GATGTGCTAGAGTCACTTGTAACGACGGTAAAGGCGTTTTATCACTTGCAATTATGATCCACCGGGTAATTAC  
ATTGGGATGAGACCTTATTAATAATCTCTCTTTAATATCTCTCTCTATATAAGTAAAAAGACATTAATTA  
TTGTATTTATTTCTAAAGGGTTAATTTGGAGTTTGTATATTATATATTTTGTGGAGTGAAATGGGAAAAAAAAA  
AAAGAGAAGAAAATTGTTTGTAAGATTGTGTTGTTTCATGTCTTTGTCATATTTTCACATGTAATTGATTGATT  
TATGTGCTGTATCCCCTAATATTTATTATTAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTCTGTCCCATCAAGGAGAG  
GTGTATATTTCCCCCCTCCAAATAAATTTACATTATTAATATATACTCCTTTTTTGTACAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2158 AF367255|Arabidopsis thaliana AT3g52990/F8J2\_160 mRNA, complete cds

AGTGGAAGACTCGAATGTATTGAATCTATTGATCCATCTTCTTCTGGTTTTGTTTTGCAGAACCTGTTTTGCTC  
TTCTTTACTTAAACCCCCCAAAAAAGATTTCTTTTTTCCAAGGATTCTTCTTTCCAAGTGAACCCACATTC  
CCATTTTACCAAATGCATTCCAATCACTTGCTTCTGAGGAGCCCATTCGGATGGCTCCATTTTGGAGCCTT  
CCAAGGCTAGCTTCTTCTACGATGACTAAGATTGTTGGTACTCTGGGTCCTAACTCTCGATCTGTACAAGTT  
ATTTCTGCTTGTGTTGACGGCTGGAATGTCGGTTGCTCGGTTGACTTTTCATGGGGTAGTCCGGATTACCATCA



AGAGACTTTGGAAAATTTGAAGATTGCTGTTAAAAGCACCAAGAACTTTGTGCTGTTATGCTGGATACAGCG  
GGTCCTGAGGTGTTGGTTGTAAATAGAAGTGAGAAATCTATCTCTTCAGGAAGATGGGTTTGTTATTCTAA  
CACCCAATCAAGAACTAGAGGCATCTTCGAGCTGCTACCTATAAATCATGATGGACTTTCAAAGGTTGTAA  
GAAAGGAGACACCCTTTTTCTTGGTCAGTACCTCTTACTGGAAGTGAAACAACATCTGTCTGGTTGGAGGTTT  
CTGAAGTGAAAGGAGATGATGTTGTTTGTGTGGTAAAAAACTCTGCCACGTTGGTTGGTACAATGTACACTTT  
GCATGCTGCTGAAATTCACATTGATCTTCCAACACTTACTGAGAAAGACAAAGAGATCATAGCTACGTGGGGA  
GTAAAAACAAGATTGACTTCCTCTCTGTGCACATGCTAGACATGCGGAAGATGTTGACAAGCTCGACAAT  
TTCTTTCTAAGCTAGGCGACCTTAAACCAAACCTCAAATATTTGCAAAGATTGAAAGTGTAGAGGGGATTGAC  
CAATTTTGATGAAATACTA

>trans\_c\_2159 XM\_002869881|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata short-chain  
dehydrogenase/reductase family protein, mRNA

AATAATCCCACTTATTATCGTAGAAAACCTTTAGAGAATTTCACTTTTGAGTGTGATGTGATTAAAGAGAGTGAA  
ATGTAGAATGTGGCGTTAAGCCAGCCATAAGTTCTTCTGATAGTTCGCCAATGGACTTCTCCTTACCATTCTA  
CTAAATTTATTGCATAGATTAGCCTCCACTTTATTCCTAACAACTTCATTAATGGATTCTGTGGCTCTGGCCGT  
GGCATTTCCTTCATCAAATCAGGTTATGAACCTTCTCCCTTTGAATCACCCAATGTTGCGCGCTAGAACCCTCA  
GATCCTTCGCTCGGAGCCCCACTTTTTCTCTCTTTCTCCCAATTGGGAAGGTGGAGTTTCAATGGTGCAAGGA  
GCTTCCAGAGGAATTGGCCTCGAATTTGTTAAACATCTGCTGGAGAATAATGAAAAAGGACATGTTGTTGCTA  
CATGTGCAAAATCCTGGACAAGCTACAGGGCTTCTTGAGCTGAAAAACAAGTTTGATGAGCGCCTTTGCATTCT  
AGAGTTGGATGTGACCAACGAAACCACCATTAAAGGCATCTGCAAAGTCTATAGAAGAAAGATATGGGTGCTT  
GAATTTGCTAATTAATGCATCTGGCATTCTTTCAATTCCTAATGTACTCCTACCAGAACTACCCTGAATAAAGT  
GGAGAAATCTTCTTTGCTTCATGCTTACGAGGTTAATGCTGTTGGTCCTATTCTAGTGATCAAGCACTTGTGGC  
CTTTTCTGAAGGCAGGGGGAGGTTCTGGAACAGAAAGAGAAGTTGCTGTCGTTGCCAATATCAGTGCTCGGG  
TGGGATCAATTGGAGATAACCGTCTTGGGGGTTGGCATTCTTACCGAGCTTCAAAGACAGCACTTAACCAATT  
GACAAAAAAACGTGTGCGGTAGAATTTGCAAGGAAGGAAAGATCCAATCATATGCATATTGTTGCATCCAGGC  
ACAGTGGACACCGATCTGTCTA

>trans\_c\_2160 BT025743|Arabidopsis thaliana At1g67620 mRNA, complete cds

GGAAGTTGGGCTGATCCACAGACCAAGCAATCAAATCGTCGCGCGAACC GGGAATTTCAAGCTCCAATCGGG  
AACTCTATTTTTTACGGCGGCCATCGGGATACACTGCACCGGAGAGACCACATGTTGGCGGCGCAAAGAATTC  
GATCTTCATCTGCTTTCTCTCCACGATTCGTTTTCTTCAACTATGGAATAGAGGCGTCTCTGTTACAGCCATG  
CTCTATCTTCTCCACCTCTAGCTCTCCCGACAAAAGCTTACTTGATCTTCAGGAGGTCGAGACGATTCTGAACA  
AGGTGAAGGCGGACGATGTCAAAGTGATACCAGTCCGTAAAGACTGTGATTGGGCTGATTACATGGTGTTCG  
CCACTGGTAGGTCTACCTGGCATGTTAAGAACATCGCTCAAGCCCTAATTTACAAGGTCAAGCAAAGCAGAA  
AGGTGCTAAACAGTTAGTACTTCCTAGTGTGGAAGGGCAAGAGGAAGGAAAATGGATTGTCATCGACTCTGG  
TAAAGTAGTAGTTCACGCCCTCGACGAGAATGCCAGGAGTTATTACAATCTGGAGAGCCTTTGGTCCACTGAG  
ACACCGCCTGATGATTGAGCTCAGGATCTGGACAGAGCTTTAGTGAAGATACGGCCGAAGAACAACCTCCAAG  
AAGAAACCAGCACAAAAAACCCCTTAACAACCGAAAATTCTCTCTCAATGATCATCTCATCATCCCGTTTTTTCA  
TTATGTAGACTTGAGAATGTAAGGAAGAAAGAAGGAATGGTGCAGATGCTTCAGTATTTTCTGGGAATTATCC  
ATTTTCATCTTCATCCATGAAATTATGTGAGCTTATTTACTCGTTTTTTTTCTTTCAATATATATGTTTTTACAA  
ACAAATTAATTTAGTGTGCGAAAATTTTGAAATGAAAATTGAAAGTTTCTTTTGGAGTTTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2161 BT004664|Arabidopsis thaliana At4g15810 gene, complete cds

ATTCTCAATCCTCACTCATCACCCGCTCGTTAACTTGACGATTGGGCACCGCGAATCTTACAATAAACTCCCGAT  
TGTTTCTTGAAGATCCAGTTTTTGCAACAATGGATGGGCATGACTCTGAAGATGCAAAGCAAAGCACGGCTGA  
CATGACCATTTTTGTGCAAAATCTTCTCAACAAATGCAATCTAGGTTCCAAACCATGTCCGACTCCATTATCAC  
AAAGATCGATGAGATGGGGAGCCGCATAAATGAATTGGAGCAGAGCATCAATGATCTAAAGGCCGAGATGG  
GTGTCGAGGGCTCTCCGTCACCACTACCTCCATCAAAGTCAGTTGCAGATGAAGTGAAGAAAGATGAAGGTTT  
TGCCTAGAAATAGTTGAGAGTTTCATTTTATTGATGAGTTTGTGCAATATTCTCTTTTTGCTATTGCCTTTGTG  
AAGTTGAAACCAATGCTTAGAATGAAACAGAAAAGAGCAATATGATATAAACTTGGACTTGCTGTTTCTGCAT  
GATTTCTTATTGATAATATAGTGATGATTATACTCTATGATGACTTCATACAATACTACTACCCATATCTGGTG  
AAACAGTAAACACAGCTAGTTAGCTTCGACAACGAGAAATAGCATTACAGCCACGGTCATAGGGGTTGCGCTC  
GGCACCTGGCTGACAGTTGTAGTAAGATGCTCCTTTGCGTGAGCATGGCACTGAGTTGGCCCTGAGTGCATCA  
TAGCTTATGTAGTTTAAATCTGCTAATATGCGTCTGTTGATCTCAGAGTCCATCTCAAATTCAATATCTTCCTTC  
ATACACTCTGCCATGGATCCGTGACAACGAGCATGAGCTCCACCTAGGACCCAGCTCGGGGTCGTGGCCGTG  
GAGGAGACCGTCAGGATAGCAACTAGTAAGAAAATTGGAAGAAGAAAAGAAACCTTGGCGGCCATTGTTGC  
TTTCTCTCTTGCTCTTCCCGGTAT

>trans\_c\_2162 HM122592|Malus x domestica HSF domain class transcription factor (HSF4) mRNA,  
complete cds

ACGGGATCTGATTTGCTTCATGCTTGTGGCTCCTCTCATGGAGGAGCCGACCACCAAGTCGACAATACTGGA  
AACGATTCCTACAGATCTGTTCCCACTCCTTTCTTGACCAAGACGTATCAGCTTGTGACGACGAGTCAATCGA  
CCATGTCAATTCATGGAACGACGACGGATCTACCTTCATCATTTGGAACACCACGGCTTTTCGCTAAAGATTTTC  
TTCCAAAGTATTTCAAACATAATAACTTCACCAGCTTTCTCCGTGAGCTCAATACTTATGGATTTAGAAAGTTG  
TATCGGATCGTTGGGAGTTCGCGAACGAGTGCTTCGCAAAGGCAAGAAACAGCTTCTTTGTGAGATTCAGCG  
TCGGAAATTGGCCGGTCCGGTTCGTCCTCTGCTTCTAACGCGGCTGTTGTGACAACCGTTGGTGCTTCAGCA  
ATTCCGTCTGTCCAATAATTGCCATTGACGGGAAATTCTTCAGGTGAAGAACAAGTGATTCGTCTGATGAGAC  
TCCAACGAGAGCTCTCGCAGAGCTGATAGATGAGAACGATCGGCTGAGAAGAGAGAAAGTTCAGCTCACGG  
AACAATTGGTTGAGGTGAAATCTTTGTGCAATAACATCTTCTCGTTGATGTCGAGCTTCGTTGAAAGTCAATTC  
AAGAGCAGTTTCAAAGTGAGGGAGAGCGTTTTGGCATCGGCAAAATCGCTCGATCTTTTCCCGGTGAAGCGG  
CCAGCCGGTGAAGAGGAAAGGGCGGAGGTGAAGGAAGAGGAGACGAATCAGATCGGCGTGAAGCGAGCG  
AGGGAATATAAGGGAGGGGGCGACGGAGACGGCGGAGAATGATACTACTCTGCGGCTTCAACCAACCGATA  
GATGGGTAGTCAAATCAGAGAAGATAAATTGTCAAATAAAGTTGATGAGGGAGAGACGTGGCATAATATCA  
GCTCCACCAGTGAGAGATGATCAAATGGATCTG

>trans\_c\_2163 NM\_001073551|Oryza sativa Japonica Group Os12g0560600 (Os12g0560600)  
mRNA, complete cds

GAATAAACCAACGAGCAGGTGCGAAAGATCTGTTTCATTCTGAAATCACATTGAAAGTTTTGAAATAATCCAT  
TCACTTCAATCGTTTACAACACTTCTATAAGATTTCCATCTCTTCTATTTCGCTTTTCCGTGTTTGTTCGATCGAA  
TATTTTCGATTCTGCAGCGAACTTTTCTTTTTGAAACATTTGAAATCATGGGGTTTGATGATTATGTCTGTTCTT  
TTCCAGACTGAAAATAGGAAGAAGAATTTGAAGACAAAGATTCATGAGTTCTTCTTCAGTAATAACTCCAGAA  
GACGTTCTGGAGTCGTTGATGAATGATGGCACTATTGATTCTCTCAGGTTGAAGATCATTAACCAGCTCAAAG  
CCAATGAGGAGCTTAAGAATACCACCATTAAATGGTAGAACAAAGCAAAGTCCTCAATACTCTGGGGCAG  
AGAAACAGACCAAAAGGGAGCTATTTGATGCTCTTCGACAGGAACTCGAAGCACCAGTACTGGAGAAAGCCT  
CTAAATCTGTTTGGGAATTAATTTTGGACAACAATGGATTAGGCAAAGAAATAAACGACACGGTTGAAAAAGT  
ATTTTGTGATTGAGTGGCAAGGAACCTCCATTGTTTCTTCTCAAAATGGGGATATGCCACCAGTAAAAGAA  
ACTGAGCTCGAGAAAGGCAAGGGAAAAGAACCTGAAGATAATTATACAAGGAAAAATCACAACCTGTTAGG

AAAAGGAGTTTCAATGACATGAATGGCAAAGAGGAAAACGCTGTTGCTGATGGAGCTGGAGAAAGTCTAGC  
TGTACCTGAAGAACATAGTAGGTCACCTTAGTTGAGTTTGAAGACAAAAATCTAATGAACCATGCTCTATAAC  
GACAGATCTCCCAGTTGTAGAATGTGATCATTAGTTGAGCTCTTCACTTAATCTGATGTGCATGGCCTGGG  
GTGAACACAAAACAAATTTGACACTG

>trans\_c\_2164 FJ840479|Castanea mollissima protein phosphatase 2A catalytic subunit mRNA,  
complete cds

AGTAAATTAGAGGGGAAGAGGACGGGGAAGAAGAAGACGGAGTCTTTTTCTAGGGTTTTCCGACGGATCTTT  
TACGGCTCACGAAATCCTATGAACTTGAAGGGAGCACCACCGAATCGGCGGGATCTTGATCTGTAATTGCCTT  
CGCTATTGGAGTGAAGAAATCACCAGAACCAATCTAGGGGAAATCATGGATTCCGTTTCTTCTAACTCCCACG  
GAAATCTGGACGAGCAGATTTCCAGCTCATGCAGTGCAAGCCCTTGAACGAGCAGGAGGTAAGAGTATTGT  
GTGAGAAAAGCTAAGGAGATACTTATGGACGAGAGCAATGTTTCAGCCTGTAAAAGTCCGGTAACAATATGTG  
GTGATATTCACGGGCAATTTTCATGATCTTGCAGAACTCTTCGCATTGGAGGGAAGTGTCCAGATACAAATTA  
CTTGTTTATGGGAGATTATGTTGATCGTGGCTACTACTCAGTTGAACTGTTACACTTTTAGTGGCCCTTAAAG  
TCCGATATCCTCAACGCATCACAATTCTTAGAGGAAATCATGAAAGTCGTCAGATAACACAAGTTTATGGGTTT  
TATGACGAATGCTTGAGAAAGTATGGCAATGCTAATGTTTGAAGATTTTTACTAACCTGTTGACTATTTTCC  
GTTGACAGCACTGGTGAATCAGAAATATTCTGTCTGCATGGTGGTTTGTGCGCATCCATTGAAACCCTCGAC  
AATATACGGAATTTTGATCGTGTTCAGAAGTTCCTCATGAAGGTCCCATGTGTGATCTCTTATGGTCTGACCC  
AGATGATCGATGTGGGTTGGGGAATTTCTCCAAGAGGTGCTGGATATACCTTTGGTCAGGACATATCTGAGCA  
GTTTAACCATAGTAATAATTTAAAGTTGATTGCAAGAGCTCATCAGCTAGTGATGGAAGGCTATAACTGGAGT  
CATGAACAAAAAGTTGTGACTATATTTA

>trans\_c\_2165 BT025707|Arabidopsis thaliana At4g26060 mRNA, complete cds

TTCGTTATTTTTCAAGTCTCACAACACAAACAAGGGAGTCAATTTTCTCAGCTTTTAGGAGATGAGAGATGAAG  
TCGATCGTTGCTTGACGTTTAAATTTCTGCTTTGTTTAAGGAAAGCGTGTCTTTTGTTAATTCATACGCCACT  
TCCATCTCTGATCCGTCCAAAGCGAGAGAAATTGCCGTTTCCATCCATCCACTCATCTATTCATCTGTTTCGGTT  
AACAAAGTGGATACTGCGAATTCGAAGAGTTCATACTTTCATAAACACCAGCTTCAGCATGGATCCAAATGGA  
AAAATGGACCAGACGGTGCAATTGGTGAAATCAGTCTCTGATAAGCATCTTGATCTTTTGAGGCCATCTGCCC  
GAATTTGTTCAATATTCAAAGGCCAAGGAAAAGATGCTCCAGACCACATAAGGAGCAAATACACACTTCTCAG  
AGATGTAGAGGATTCTCAAGTAGGGCTATATGACAAGCCTCTCCCGTGTGTTGGCTGCGGCATAGGATGGTTT  
TCTTTCCTCCTGGGGTTTTTTTTTCCCACTAATGTGGTACTATGCCACGATTCTCTACTTCTGGAATGCTCGCAGA  
GATCCAAGGGAACGTGCTGGATTAGCTGCGTCTGCCATTGCTGCACTTGATGTTTCGATCATCTTGTTAATTGT  
GGTAGCTGTTCTTCTATGATAGCTCGGCATACTTAATCTTTGCCCTTCAGTCTTGCCAATGCAATTTCAACCTG  
AATAGGTTTTGTGGATGTGCAGATAAATGATTAAAGGGTTCTGTTGCTGATTTTGGTGATTCTGCTATTTTCC  
ATTGCAAAAGAAAAAAAAAAAAATGCAAATGTTTATAAATCATATATACGTATATTTTGCCACCTCTTTCAAAAG  
AGAGTTGTCGCATTTGTAATACACAAAAGAAAACATAATACATAATTATAGATCTCTTTCGATAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2166 AF412087|Arabidopsis thaliana AT3g45210/T14D3\_150 mRNA, complete cds

AACCATCTCAACTCCCCCAAATTTCAAATCCCTCCATTTCAATTCAACAAATCCAAACACAATTCAGACAGAG  
GGAGTTTTTAATTCTTTTTTTTTTTTTTTCATTTTCTTTCCCTTTTGATGGCAACTGGTAAGAGTTACTTCTCT  
CGCTCCAAGTTCCGGTTTCTTCCCGCCGGTGACGGACCTGACCACTGCCGTAGCGACGCCGCTTTCGATTCGA  
CGAGTCCGACCTCTCAACTCTCCGCACTCCGGAACCTCCCCGGAGTTCCGTCGTCCGGCTTCAAATCACGAA  
TCTCAAAGCGGATTTCTCCCGTCGACGTCCGAGACCGTAGCGTTACGACGGTTTCCGCCGCTCTCTGCCGGTT

AACATCCCTGATTGGTCGAAGATTCTGAGAAACGAGTATATCGAGAATCGGAGGGATGACTTCGAGGATGAA  
GACGGCGACGACGACGGCGATGAGTTCGAGGAAAAGCGATTTAGGGTTCCGCCACATGAATTTCTGGCGAA  
GACGAGGATTGCTTCGTTTTCGGTTTCATGAAGGAATTGGAAGAACGTTGAAAGGAAGAGATCTGAGCAGAGT  
TCGAGATGCGATTTGGCAAAAACTGGATTTCGAAGATTGATTTGATTGGATTGGGATTGAATTTGAACAAACA  
CGAAGAACAATTATTTGAAAAACAAACAAAAAAAATCTCGGAATATTCCAATAGAATATACCAATTCCTTCCA  
TGAGTAAGACTTTCCATCTCTCTCCACCAAAATTTTTGATCCTTTCCTCTCTCTGTTAATTTTTCCGCCGTTTG  
GCCGCCCTATCTCGGCGGTGTTTCGATCGCTCCGATCATCGTTTTTTTTTTTTCATATCTGTAATTCGGAATATT  
TTGTATTTTGAATTTACGAGAAGGATAGAAATATTTTATACTTTTTTTAATTAATTAAGCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2167 XM\_002887268|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

ACCTTTGAGGGAGGCTATGCTATTTCTCCGATGGGGAAAGCGCTTTAAGCATGGCCGAGGTGGGGTTCGACC  
CAATTCTGACAAGGCTCTTAATTCCTTTCTTAAGGGTGCCGCTCGTGGCTCCACCCTTGCTATGGTTGATGCCG  
GACTTCTCTACTGGGAGATGGGCAACAAATACGAGGCTATTGCCTTGTAACGAGAAGGCTGCCGACCTAGGCG  
ATCCTTCTGCCAAGTGCAATTTAGGAATCTCCTTTTTGCATGCAAAACCGCCAAATCCAACCTGAAGCTGTAAAA  
TGTTTGGCACAAGCATCCATGGTTGGCAACGTTGAGCTCAATACCAACTTGCTCTGTGTCTACAGCAGGGTA  
ATGGGGTGGATCGGAATGTACAGGAAGCTGTATGTTACTTTTCCCTTCCTATCTATTTTGCTTACGAGGGAGA  
ATTATGTTTATGTTTAGGGCTAGGTGGTTTTTCAAAGCCGCTGAAGGGGGATATGTGCGTGCCATGTACAATC  
TTTCTCTGTGCTATTCTTGCGGTGAAGGCTTGGTACACAACCATCAGCAGGCTAAGAAGTGGATGAAGCGGGC  
AGCTGATCGTGGTCATAGTAAAGCTCAATTTGAGCATGGACTCCATCTCTTTTCTGAAAGAGACATGATGAAA  
GCTGTAGTCTACTTGAACTTGCAACTCGTTCTGGTGAAAGAGCTGCTGGTCATGTCAAGAGTGTAAATCTCC  
AACAACTTTCACAAAGTTCACGGGATCGTGTCTGTCTGTTGCCGATAACTGGCGTCCATTGCCTTCGTCTCAT  
TGACGTCAATTTTTTCGCATACAAATGAAGTAACCTTTTTACAAATGTACACTGGGTGCTTTTTGTTGTAGTCA  
TTGCATCAAAAATACTAATAGCCATTCACTAGGAAAGTTGCCTTAATACTTGTAATTTGCTCGTTCACCTATT  
AGATGGTTGTTTATGTCTTTTTC

>trans\_c\_2168 GQ901953|Hevea brasiliensis LIM1 mRNA, complete cds

AATCGATAAAATCTTCTTTAATTTTTCTCTCTATTATTAATCCCAAATTCGAACATAAACTCCCACTACGCTGC  
GCCAAAAAGGGGTCCAATACAATTCCTTTACTTGTTTTCTTCTTTCTCGATTTTCTTCTTTTTCTCTCG  
ACCTTTCCACCTTCGATTTCTCTACGATTTTGCTTCTGGGTTCTTTGTTTTGGCCCTTTTCGTTTACAGATCC  
ACCGTTTTTCCAAGTTCTTATCTCAGAGAAGGGAATTTAGGTTTGAGAGTTGGGATTGCTTGTCATCTTGTT  
GGTTGGGTGAAAAAGGCTCAGATCTAATTGCAAGGCTTAGCTATGTCTTTCATTGGCACACAACAAAGTGC  
AAGGCCTGTGAGAAGACTGTCTACCCTGTAGAGCAGCTCTCTGCTGATGGAGTTTCTACCATAAATCTTGCTT  
CAATGCAGCCACTGCAAGGGACTCTAAAGCTGAGCAATTATTCTTCAATGGAAGGTGTTCTTTATTGTAAG  
CCTCATTTTCGAGCAGCTCTTCAAAGAGACTGGCAATTTCAACAAGAATTTTCAATCACCTGCCAAGTCAGCTGA  
GAAGTTAACCCAGAGCTGACTAGGTACCTAGCAAAGCTGCTGGCATGTTTTCTGGTACTCAAGACAAATGT  
GCTACTTGTTGTAATACTGTCTATCCATTAGAGAAGGTAACAGTTGAAAGCCAATCCTATCACAAGTCCTGTTT  
TAAGTGCTCTCATGGAGGGTGTGCTCTATCCCATCAAATATGCAGCACTAGAGGGTATTCTATATTGCAAAC  
ACCACTTCTCTCAGCTTTTCAAGGAAAAGGGAAGCTACAACCACCTGATCAAGTCTGCATCCATGAAGCGGTC  
CGCTGCCCCAGTTCTGAAGCTTAAAGTTCCATTCTTATATCCTCATTACGGTTTTCGGACTTAACTCTCTATTTT  
ACATGAATGT

>trans\_c\_2169 BT004613|Arabidopsis thaliana At5g60800 gene, complete cds

>trans\_c\_2170 EU752979|Populus tremula isolate swl77-114 aspartyl protease gene, partial cds

>trans\_c\_2171 HM122664|Malus x domestica NAC domain class transcription factor (NAC22)  
mRNA, complete cds

[illegible]

AACGAAGAGGAGAGAAAACACAAGCAGCAACAGCAACAGCAACAAAAAGACAAGGATGGGGAAGCCAGTGT  
TTTATGATTTTCATGAGAAAAGAAAGGGCTGAAACAGGTTTGAATTTGGCTCCTTTTCTCTCATCTTCAGGGTCA  
AGTGGGATCACT

>trans\_c\_2172 AY104890|Zea mays PCO071167 mRNA sequence

AAGGGGAAATTTTGATCGTAATATTTTAATCACTCAACAACCAATGTTGTGCGAGGGAACCTCATAATATTACC  
TATCTTCTTCTTTCTGGATTCCCTCTGCAACTTATGGCGTTATCCTCACTCCCCATCTTCTTCTTCTCGTTTTCTG  
CTTCATAATCATCCCAATTTCTCATTCCTTACCCTTTATTGTACTCCATGGCATTGGAGATAAATGTTCAAATAAA  
GGCATGAGGAAATTTACTAAGTACTTGAGTGATAATTCTGGTTCTAAAGGATATTGCATAGAAATTGGCAACG  
GGGGTTGGGATTCATGGTTTATGACACTTGAGGCGCAGTCTCAAATTGTTTGCAACAAGGTGAAGAAAATGA  
AGGATCTAAAAGAGGGCTTCAATTTTGTGGTCTCTCCAGGGTAACCTAATTGGTCGAGCAGTTGTGGAGTT  
TTGCGATGGAGCTCCTCCCGTTCAAATTTTATTTCTTTGGGCGGTCTCATGCTGGCATATCCTCTGTTCCACT  
TTGTGGTTCTGGTATTTGGTGCCTACTTGACAGACGACCTTTGAAGTTAGCTATCTACTCAGATGTTGTACAAA  
ATTCATTGGCTCCAGTGGAATTTATTAATACCAAATGATATTCCTAACTATTTGGAGCACTGTAAATTTCTCC  
CGAAGCTCAATAATGAACGTCCTGATGCCAGAACTCCACTTACAAGGAACGATTTAGCAGCTTAAAGAACTT  
GGTACTAATCATGTTTGAGGATGACACTGTTCTGGTCCCAAAGGAAACGTCCTGGTTCCGATACTACCCGGAC  
GGAGAGTTTGAACCCATTTTACCCCCACAGCAGACGAAGCTTTACATTGAGGATTGGATTGGATTGAGAAGCT  
TAGATGAAGGTGGAAGAGTGAAATTTATAAAAGTTGCAGGAAGTCATCTTGGAATATCTTATAGTGAAGGCA  
AAAAGTACATTGTTCT

>trans\_c\_2173 AY509995|Actinidia chinensis cultivar CK51-05 sucrose phosphate phosphatase  
mRNA, complete cds

AGGTATTTTTCCGTTTCTGTCAATTTACAAACGATCTTGCCATACTTTCTCATCCACCTCGATCGTTTACAAATCAT  
ACCCAGTTTCTAGTTTTTTGTTTTCTTTTTTAAATTCGGTTACTTTTTTATTCGATCATGCCGTTTTCTTGATGTTT  
CAGCGTCGGTTCTGGGTGGGTACGCTCATTTTCAGGTGGAGTGACTGAACTGCTTGAGATTGGCACACAACA  
AAAGGTCGTGCTTAACATTGCAATCATGGAGAGGCTTAGCGCTTCAGCACGTCTCATGATAGTTTCAGATCTT  
GATCATACCATGGTCGATCATCATGATTCTGAGAATTTTCTCTGTTGAGGTTTAATGCATTGTGGGAAGCCAA  
TTACCGTCATGATTCTCTCTTGTCTTCTCAACCGGCAGATCCCCTACACTGTACAAAGAGCTAAGGAAAGAGA  
AACCTATGTAACTCCTGACATTACCATAATGTCTGTAGGAACCGAGATAACGTATGGTCACTCAATGGAACCA  
GATGAGGGGTGGGTAAAGTTCTAAATCAGAAATGGGATAAGAACATAGTCATCGAGGAAGCAAGCAAGTT  
TTCCGAACCTACTCCACAGGCAGAATCAGAGCAACGGCCACACAAGGTTAGCTTCTATACTCAGAAAGACAAG  
GCTCAGGCTGTAACAAAGGCCCTTTCTGAGTCACTGGAGAAACGCGGGTTGGATGTAAAAATAATCTACAGT  
GGAGGGATAGATCTAGATATCTTACCACAAGGTGCTGGAAAAGGACAAGCTCTAGCTTACCTGCACAAAAAA  
TTCAAGAGCATTGGGAAACTACCAAATAGCACACTTGTGTGGTGACTCGGGAAATGATGCTGAGCTATTTA  
GCATTCCAGACGTATTTGGTGTGTCATGGGTAGCAATGCTCAAGAGGAAATTGTTGCATGGCATGCTGAAAATGC  
AAAGAACAACAGCAAGATAAT

>trans\_c\_2174 XM\_002317522|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS55),  
mRNA

ATCTTTTCAAACATCAACCCCAACCTTCCCATTTTCATCACCCAACTATTCTTCTTCCATTCACTCTTCACCGAAT  
AACCCATTTCTGAATCACCTTTTTCTTTCTTTTCCATTTTCTCCCTAATTTCAGGTTGATTTTTGTTCTTCTACT  
GTTGGAGACTGGTAACCAGCAATTTGATGTTAGTTTTCTGTGAAAAAGAAAAAAACCTTTGTTGTGTTAGG  
TGGAGGATATAATTCTCTGCTACAAGAACTGATGCTAAGTGATAGCATGGACTCTCATCAACTCTTTGGATTT  
GGGGTTAATAGTGCTGCTGGTCTTTTCAATTACATCTCCCTGTTCTCCTCGTTCTTCTTTACCTAATACTTTGCTTG

GACCCTTGAAATTCAATTTAAGTAGTCCCCGGCTTTGTCTCCTCTATTCTCTTCGCATTTTGAATTCGATTCCCTT  
TACGACGACGACTGTGAGTGGTAGTCCGGATCAAAGAACTCCCCAGATAATCTCTCTGGACTTAGCCCTTCTT  
GTAATTCGTCCTTTGAAACCAGTAGCTTTAATCAAATAGCTTCATCGTATTTGGATCATTTTGAGGACGAGAGT  
CGGCAATTGCATTCGGGGTCTGAATGCGTTTGTTTATGACGGATACTCCGCTGAGAACATAAGCTACACTTTGA  
AACAAATTGGAGAGGTGGAGGATGGGGCCGGATAATGAGGAAGTTGTGAGCAAGCCTGATGTTTCGTTTGA  
GTGAGTGGCAGGCCACAGATGATGGGGCAGAGGTCTTACTCATGGAGCCAAGATCGACGTGGTGGGTCCTA  
TGGTGTTTCAGTCTCAGGCGTCGCCAGTGTCAAGAAGCCAGCAATCCGAGGCAGTTCACTTGGGGAAACGACA  
GAAATCGATGGATGAATCATTGTTGCAGCAGCAGGGAGGATTGCCATCGGATATAAACTTTCTGAACAATAA  
CGAACACGGGGGAAG

>trans\_c\_2175 BT010645|Arabidopsis thaliana At5g25170 gene, complete cds

AAAGTAAAGAACAGTGAAACTGAAAAGGAAAAGGCACGCGGATACAGAGAAGAACAACAACAACATTC  
CTCTCCTCAAAAACCTCAAATTCATTTCCCTCACTTTCCATTCTCAATTCATTTTTATTTTTATCTTTTTCACTTTT  
CAAATCCCATTCTTCTTTCCCTTCCCCGATTCCCCATCTCCGCCGTTCTTTCACTCTTCTACACCAACTGGAAG  
ATATTGCCTAAAATGTTGTGTAGAATCGTCACAGTGTGAGCAGGAAAAAGATTGGTGCGGTTCTGTTTACC  
TTAATGTCTACGATTTAACGCCGATTAATGGGTATGCCTATTGGCTTGGCCTCGGTGTTTACCATTCCGGCGTA  
CAAGTTCATGGAGTTGAGTACGCATTTGGAGCTCATGAGCATGCGAGTACAGGGATATTGAAGTGAACCA  
AAGCATTGTCCAGGATTCACATACAGAAAATCAATTTTAATAGGAAGAACGAATCTAAGTCCTAGGGAGATTC  
GATCATTATGAGAGAACTAGCCGAAGAGTATTCTGGAAATACCTATCATCTCATCAACAAAACTGTAACCAT  
TTTTGTAACGACGTTTGTGTGAGATTGACAGGAAAACCAATCCCTAGATGGGTAAATCGTCTTGCTCGACTCG  
GGTTTCTATGCAACTGTGTTCTACCGGTGGGATTGAATGAAATGAAGGTTGGTGAAGTGAAGCAGACCAGA  
ACAGAGAGAAGAAGAAGCTGAGAACAATCAAGTAGATATCCAAGTGGTTTGAATTCTGGAGCTGCAGCAA  
CTCCGACCCCATTATCTTCTTCAAAAGCTTCAAATTCATGGTTAGAAAAACAAGTAAACAAACACATTCTGCTC  
CATCTTCTTCTCTATTTTGTCTCTTCTTTCACCTCTACTTTCCCTGTGAAGCTGTAGTTTTATGATTAAATTTTG  
GATATTCCCCTATTAA

>trans\_c\_2176 NM\_127516|Arabidopsis thaliana TET2 (TETRASPANIN2) (TET2) mRNA, complete cds

ACACTAGAAGAAGCCTGATCTGTTAGTGAAAGAGAACAATACAAAACCGATTGGCATTGCAAAATTCCTCTT  
CCAAACTCCAATTCCATGGGTTTAAGCAACAATATCACCGCAATTCTCAATTTCTTAGCCCTCCTCTGCTCCATC  
CCCATAATCGGCGCCGGAATTTGGCTCGCTTCGAAGCCGGACAACGAATGTATCCATTTTTTCCGATGGCCGG  
TGGTTATCATCGGCGTCTTAATCCTCCTCGTCTCTTTAGCTGGCTTCATCGGTGCTTATTGGAACAGACAAGGG  
CTTCTCGCTTTTTACCTCTTCTGTATGGCTGTTCTGATCGGTCTCTTGCTAGTTCTCCTCGTTTTTACCTTCGTCGT  
TACTCGCCCTGACGGAAGCTACACCGTCATGGGGAGAGGATTCAAAGAGTACCGATTGGATGGATTCTCGTC  
GTGGCTTAAAAGTCATCTCACGAATTCTAGAAATTGGCCGAAGATAAGAACGTGTTTGGCGGAATCTGATGTT  
TGTCTTAAGCTTAATCAGCAATACTTTGCCGCCGATCAGTTTTTTCGCGGCGGACATTTGCGCGCTCCAGTCAGG  
GTGCTGTAAACCTCCAACAGCTTGTGGGTTTAACTTTGTGAACCAACACTGTGGCTGAACCCTGTGGATCCAA  
TGGCTGACCCAGACTGCTATATTTGGAGTAATGACCAAACCCAGTTGTGCTACAATTGCAACTCTTGCAAGGCT  
GGCCTCTTGGGAAATCTCAGAAGAGAATGGAGAAAGGCCAATGTGGTTCTCATTGTCACTGTGGTGGTCTTG  
ATTTGGGTTTATGTAATTGGCTGCAGTGCCTTCAAGAATGCACAAACAGAGGACCTCTTTCGTCGTTACAAACA  
GGGATGGATCTGATCTGGTTTTCTGTCTGATTCCAAAACACGACCACTCTCTCATTGGTTTTTCATCTCTGGTTAG  
GATGTCTTAACTTGGC

>trans\_c\_2177 XM\_002877922|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATVAMP727, mRNA

ACGGTTAAACTGATTGAGGCTTTGGGTTCTTTATATATTTACTCTCCTTTTTCTTTCCCCCAATTCATGTTTTCTCAA  
ACTGATCCATCTTTCATTAGCTTCAATCTTACGTGAAGTTGACTACAGATTTCCAGTTTAAGGTTACTGCTGC  
AGCTTTGTTGCTAAAGGGACTGTTGTTTTAGCAGAACACACATCATTCTCAGGGAATTTTAGTACTATTGCCGT  
TCAGTGCTTACAGAGATTGCCTTCTAATAGCAGCAAATGCACATACTCATGTGATGGGCATACATTCAACTTTC  
TTCTTGACAGTGGATTTGTTTTCTGGCTGTTGCCGATGAATCAGTTGGAAGGAATATGCCATTTGTATTTCTTG  
AACGTGTAAAAGATGACTTTAAACAGCGGTATGGCTCAAGTATCAAGGATGAGAATCCTCACCCACTTGCAGAT  
TGATGAGGACGATGATGATTTATTTCTAGACCGATTCAAGTGTGCATACACTCTTGACAGAGAATTTGGGCCA  
AGGCTTAAGGAGCACATGCAATATTGCATGAGCCACCCGGAAGAAATGAGTAAACTCTCCAAGCTGAAGGCT  
CAAATAACAGAGGTGAAAGGAATTATGATGGATAACATCGAAAAGTCTTAGACCGTGGTGAACGGATCGA  
GCTTCTGGTGGACAAAACAGAAAACCTTACAATTTCAAGCCGATAACTTTCATCGACAAGGGAGGCAACTTCGG  
CGAAAAATGTGGCTTCAGAGTTTACAAATGAAGCTGATGGTTGGTGGAGGAATCTTGGTCTTGTTCATCATAC  
TTTGGTTTATTGTATGCGGTGGTTTCAAGTGTGATTGGTAAAGTTAGTAAGAGATGAGTGTTCAGTTGGC  
TTGTATGGAAGGAACT

>trans\_c\_2178 AB049816|Nicotiana tabacum ipi2 mRNA for isopentenyl diphosphate isomerase 2,  
complete cds

ACGCTTCATTTCAATTCTTCAACAACGTCTCTGACCCTTCTTCATCACCACCACCCTTCCATCACTTTTTAAATACT  
CCTTCATCTCTCTCTCTCTCTCACGTTATTTCCCTCTTCTCCATTTCCCTCACATTCTCTCCAATCTTAACC  
CCTCGCCATGGGAGATGCTCTTCTGATGCTGCCATGGACGCTGTCCAGAAGCGCCTCATGTTTCGAGGATGAG  
TGCATTTTAGTGATGAGAATGACCGTGTCTGGTTCATGAATCCAAGTATAATTGTCACTTGATGGAAAATA  
TCGAATCTAAGAACTGGCTGCATCGTGCTTTCAGCGTCTTTTTATTCAATTCCAAATATGAGTTGCTTCTTCAGC  
AACGATCTGCAACAAAAGTGACATTTCCGCTTGTCTGGACGAACAATTGCTGCAGTCATCCATTGTATAGAGA  
ATCTGAACTAATTGAGGAGGATGCTCTTGGTGCAAGAAATGCTGCCAGAGGAAGCTTTTAGACGAACTCGG  
TATTCCAGCTGAAGACGTCCAGTCGAGCAGTTCATTCCCCTTGGTTCGCATGCTATACAAGGCACCCTCTGATG  
GCAAATGGGGGGAGCATGAATTGGACTATCTCTCTTCAATTGTTTCGAGATGTCAATGTGAACCCAAACCCAGA  
TGAAGTGGCAGACGTGAAATACGTGAACAAGGAGCAGTTGAAGGAGCTTCTAAGAAAAACAGATGCTGGAG  
AAGAGGGGTTAAAGCTCTCCCCTTGGTTCAGGCTTGTGTGGACAACTTTTGTTCAAGTTGGTGGGATCATGT  
GGAGAAGGGGACTCTCAAGGAAGCTGCTGACATGAAAACAATTCACAAGTTGACTTAAGAAAAGAGAAAAA  
ATAGATCTCAATCTTCTTTGTTGTAGTTTATGAATCCTTGTCTCCATAGCATGAGTTTCAATAAGATCTGAAC  
TTCATCTGTGCTTCTTA

>trans\_c\_2179 AY106375|Zea mays PCO088018 mRNA sequence

ACATCAAACCTTAAATGCACCTTGTTAGAATCGATTGTTCTTCAATCACAAGCCATTTAAATTTTAAAGACA  
CAATACCAATTCTAATGTGGAACATTCTTAGGCAAGTTTCGGATTACGTTGTTCTTCAATCCGATTTTGGTGC  
GCATTGCTTCCAACCCGGTTCGATTCATTTCTTTCACCACCTTCTCCTGTATCATCGGAAAGGGAAATAAGGAG  
GCATCCATTTAGGGGGGGTGGCCATATGAGAACCAGGGGATCTGGAAACAGAGGCGACCCCGATATGATC  
CACAGAATCCAGGTAGAGGAGCTCGACATAGTTCAGCAGATAAGAAGAGCAGAGTAAATTGAGGCAACTAA  
AGAGTAGCATTCAATTTATCAGTCCATTTTCCGCATCAGACAGTTGGGTGTTAAGAGTTATACATAAAGTCCTC  
AAGGAGACTGGTTTGCAAGCTGTATAACGTTACCATGTTGGCATATTAGTTATTATTCATTTGTGTACCAAGAA  
TTTTCCAAGCAATTATTAGCACGCTTTAGATGCTGTATTTGTTATAGTCCTTTATTATTTTGTACTTTGTTA  
CTGAATGTTGTAAAAAAATCGAGTTTCTGCCCTTGGGAGTGTCGATAGATCCAAAACACAACCTCTGAAGGCA  
GAATTCTTAAATGGATCTAGATCATACCTTGGGGAATGAGAAACAAAAGCATAAATATGTTTGTCTACATCA  
AATAGCATTGAAGTCAGAGGCAACGCTGCTGATTAACAGTTTCAAGCTGTCTGTACAAGAGCATTTTCATCA



GGATTTTCCTCTGAGAATTTGTGTTTCATATTTATTTATTTATTGTATGGGCCTTGTGATGACTGGCTGATTAAAA  
TGTGTTGAGCATATTTTCTTTTCTTTGCGTTGGTGAATGTGTAGAGGATTGATTATCTGATATAAAGTCGAAT  
TTTAGCCTGTTTTTCTTT

>trans\_c\_2180 BT008491|Arabidopsis thaliana At4g26630 gene, complete cds

TCAGAAGAAGAGAAGGAAGCAGAAGAGGATAATGACAAGGAGAATGAGAAGAATGGAACACAGAAAAAT  
CTGATGAAGAAGTGTCCGAGCAGCCAGAAAGTGAAGATATCAATGACCCAACTGATGAATCTGAGGAAGAAA  
GACCCAGAGCAAGTACAAAACTTCATCAAAAAAGAAGGGATCTGTGGGAAAAGCAAGAAGCAAGAAAGTT  
ACAGGTTCCAATAAATCTGATTCAGCAAAATCTTCAGCAAGAAGTTAGCAGCAAGTCGTGCTAAGGTTGATG  
ATATTGATGCTAGTCCAAAGGTATTCTCTAGGAAGAAGAATAGTGAGAAAGAGAACAAGGCCTCTACTCCATC  
AAAATCTGCTAACAAGGAGAAACCTGGGAAAAAGGTTGTGAAAGGCAAGATAAAACCAAGGAGGAAAAAT  
CAAGGCCAAGTGATGATGAGCTCAGGGAAGCTATATGTGAAATTCTTAAAGTAGTTGACTTTACTACGGCGAC  
CTTCACGGACATTCTGAAGCAGCTTGCTCGGCAATTCAAGATGGATCTCACCACACAAAAGTCATCGATAAAA  
CTCATGATCCAAGAAGAGCTGACAAAACCTGGCAGACGAAGCAGAAGACGAAGAAGATGGAGGCGAAGGCG  
ATGCTGAGAAGGATGGTAAACAGGCAGCATCAGGTCGAGAGGTGGAACTTGAGTCCAAGAGTGTTGGCCC  
GCCATGGGATTTGTCTAACATATATGGAAAAAGCCCTAAAAAGTTGAGTCTGTTGTAAAGGTGGATGTAATTT  
ATTTGTTGGTATCATCATCATGTTTACTGCTAATGAAAAGGTTAGTGTTTTTATTAGAAAACAAGGTTAGTTGTT  
ACTTTATATAGGGTGTTGCAAATATTGCACCTTCTTTTTATACTGATATAAAATCTGTTGGGAATAATAATTCCA  
TGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2181 XM\_002863859|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata histidine triad family protein, mRNA

TCAATCAATATCCCTACTTTTTCCCTTCTCTTTTTCTTCCCCCTACTGAGGCCTAAAGCTCAATCCTTTTCTCTTTCT  
CACTCTCACTCTCTACCCAGCTAGTTTTTTTAGCTCTTTCCTTTGAATTCCTATCTGGGTTTCAAATACTTTGTG  
GTGCACATGGGTCTTGCTGCAGCTTTGGGACAAATTGCTGGTTGATATGGGGTTCTTGAATTGATACAGGATC  
CGGAGCAAGACAGTGCTGAAAGATTGGTGGACAATCGGGCAAGATAGCAAGAGTTTGACTGCAAGAATTC  
TGCTTCAACTGGTCCATGGAGGCCCGGAGGCTTGCCATTCTCTGTTTCGCATCTCTGCCAGTTAACTTGGGAAG  
TAGCCCAGCTCCTCTCTTGAATCTTTCCTCTTCGAGCTGTGCTTCTGGATCCAAGAGTGAGCATCTAATTTATGA  
TTCTCAAAGGGCAGTCTGCAAGATGACTGTGTTTTCTGCAAGATTGTACGAGGCGAGGCACCTGCTTTTAAG  
CTCTATGATGATGATAGTTGCCTTTGTATATTAGACACAAGACCACTGAGTAATGGGCACTCTCTAATTATACC  
AAAATCTCATTATTCTTCGTTGGAAGCTACACCTCCTTCTGTGATAGCTGCAATGTGTTTCGAAAGTCCCATCAT  
TAGCAATGCAATAATGAAGTCTACTGGTAGTGATTCTTCAACTTATTAGTTAACAATGGTGAGGCTGCTGGTC  
AAGTTATATTCCATACTCACATTCACATAATTCCACGCAAGGCGAGGGATTGCTTATGGGCATCTGAGAGTTTG  
GAGAGAAGAACTAAATTTGATGAGGAGGCATCAAGGCTTGCAAAAAGTATACAAGAAATTTTACACAGC  
ACCAAAGAGAATGATAGCAAGGGTCAAGAATCAAATCTCACTGAAAATTAGTAATGGTATTAGCCTGCTGCTA  
CCATTTTAGCTT

>trans\_c\_2182 NM\_117049|Arabidopsis thaliana transporter-related (AT4G09810) mRNA,  
complete cds

TTTTTTTTTTTTTACCTTCTTCGATTCCGACTCTATAAACCTATTCTTGTTGTTCTTCTGATCCCCCTTCTCCTGC  
AGATTCTGGCTGAACTGGATCTAATTTAACATAATACTGGTTGAGCATCAAGATCAAGCACTTCAGGTTTTTTC  
TTTTGAATGAAGATTGAGAGCTTGAAGTGCTGATTAATAAATCAAAGTTATAGATTACAATGTCTTCACCTGGCA  
AGAGTGATCATAAGGCAACTCTTGATGCTGCCTCATGGATGTTCAATGTTGTCACGTCTGTTGGGATAATCATC  
GTCAATAAGGCATTGATGGCCACATATGGATTGAGCTTTGCAACAACTTAACTGGCCTTCATTTTGCCACAAC  
CTCCTTGCTGACTTTTATTCTCAAGCAACTGGTTATATCCAAGATTCTCACTTACCATTCTTGACATTCTTAAA

TTTGTTATATTTGCAAATTTCTCAATCGTGGGAATGAACGTCAGCTTGATGTGGAATTCTGTTGGGTTCTATCA  
GATCGCAAAGCTGAGCATGATCCCAGTATCTTGTTTTCTAGAAGTTGTGTTGGATAAGGTGCAATACTCGAGG  
GACACAAAACCTTAGCATTCTCTAGTTCTACTTGGTGTGGAGTTTGTACTGTCACTGATGTTAGTGTCAACAT  
GAAAGGTTTTGTGGCTGCTGTAGTGGCAGTATGGAGCACTTCCTGCAGCAGTATTATGTACATCATCTACAA  
CGAAAATATTCTCTGGATCCTTCAACTTATTAGGTCATACCGCTCCAGTGCAGGCTGCTTCTTTGCTGTTACTT  
GGCCCCTTTTCAGACTACTGGTTGACTGGAAAAAGAGTTGATGCCTACGGATTCACTTTTATGTCATTGGCGTT  
CTTAATCCTTTCATGTACCATTGCGGTAGGGACAAATCTCAGCCAGTTCATATGCATAGGTAGATTCACTGCTG  
TGACATTC

>trans\_c\_2183 XM\_002862211|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Ulp1 protease family protein,  
mRNA

TACGTATGAGTTTGTAGCAACAAAACCTTCACTGAAGGTTCTCCTCAGATCGGTTTCGGATTCAAAATCTTCG  
GAGGTCTCTCAGAACTGGCTACCTGATCCAAAATGGGGAAGTTTGAAGGAGATGAGAAAATCCTAAGCTACA  
ACGATGTTGTACTCAGAAAATCCGACTTGGAGATCCTTAGCGGGCCATACTTTCTGAACGATCGAATCATCGA  
GTTCTATTTTAGCTATCTAAGCACTACCCATCCTTCCAACGACATTCTTCTATCTCCACCTTCAATTGCTTTTTGG  
ATAATGAACTGCCCCGATGTGCAAGTCTCAATGGTTTCCTAGAACCTCTCAATCTACGCCACAAGAAGCTCGT  
AATCTTCCCTGTCAACGACAACAGTGACGTTAGTAAACCTGAAGGTGGAACCACTGGAGTCTTCTTGCATTTT  
ACAGAGAAGCAAACATATTTGTTTCATCATGATAGCAATAAAGGAATGAACAAGTACGATGCCAAGCGACTCTA  
CAAAGCTGTGGCTAGATTTATGAATGATGGCTCGAATTCAACATCAAATCCAAGTTACATGGAATGCGTCGAG  
TCTCCACAACAAGTAAATGGATACGATTGTGGTGTGTATGTTACAGCTATAGCAAGAAGCATATGCAAGTGGT  
ATGAGGAAAGGAGAGAAGTTGAGAAAGATGGGTTGTGGTTTTAGCTGTGGTGGAGGAGATTAGTCCATTA  
TTGGTTGCTAATATGCGTAAAGAAATTTTGGAGCTAATAAGAAAGTTAATGGCTGTGAAGGAATATCAACCGG  
CTACTAAATAATAAATGTTGTTGTTCACTCGTTATATTGTTAATTCTTTGCTTTACGGTCCATTTTAGGACTGG  
ATTTGTGTTGACTAATGGAGATAATGGGTTTTGTCTAAATGATCGAATCAGTCTTAATTGCTTTGGGGTTAAAA  
GATCTCTACAGCTCCTCATG

>trans\_c\_2184 AY079048|Lycopersicon esculentum ethylene-responsive protein kinase Le-CTR1  
(ER50) gene, complete cds

ATGAAAGTTCCTTATATTTTCTTACCATGAAGAACAGAAGAGATATCAATACAGGTCCAGATACTTGTTTTGC  
CCAGCATTTCCATATCCTTGGTAAACATGTTCAAGCTTGGACATTTCAACCAATCTCCTGTATTGTATATTGTG  
TTTATCCTTCAAAACAGTCACCCTTATTCTCTTGTTCCTTATGAGCAAGTGAATGGGAATCTTGTACCTGCTAT  
AATCTTCAAAGGCCCTTCCATCAACATTTTCATGCCTTTTTACTTTCAATTGTCATGGCATTCTCAGGGGCATTCAA  
TGCCTTGATGCTTGCTACTAATAAGCCAAAAAATTGCCAAGTTTTGCAGCTACTATTCTTTGGGATTTATGGCCTC  
AGCTGTAGTTTTATTGTTTTGGGCTCTGTTTCAGACAGTTTTTAACTTGAGACAATGGCATGATTAAGATATGTT  
TGGACGTTTCCCTACTTCGTTTCTTCTCGACCATATTGGTTTCAGGGGGGAGCTTCTCGGACGTTTCCCTATATC  
AATAGAGTTCCCTACAATCCAAGACTTGTGTAACAAACAAAAGGGAATATTTTGAATTATTTTCCAATCCAAAA  
CCTTGTTGTTTTATCAAGTAAACAGAAAGACATTGACAAAAGAATGGAAATTTCATTTTCTAGTTAGACAGAAG  
AATCGCAATCCTTGGGAAGAATTTTTCTATAAGCTGGATTATTATTTCCACCTTAAACTATGAGTTCATTGTTT  
CTTTCGATATTTCTGCTCCAGCACTTTATCCTAATAAAGTTTCGTCCAACCTCCTAGCCCTAGTATGGCTCAGTAA  
GAAATGTCGCTTTTTATCTCGGTGCGTTCTAACAGCTTAATATATTATTTCTGATCTAGCTATATGTTTCTCAAA  
CCTAATTGTATATAACAAGAAGCCTCGCTATCAGAGGACGTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_2185 NM\_179384|Arabidopsis thaliana interferon-related developmental regulator family  
protein / IFRD protein family (SAT32) mRNA, complete cds

TGGCATTGATTTTTGAGATAGGCGTTTTGGAGAAGCTTTCTGCTGAAACTAAAGGATCAACTGATGGCTTCAC  
CCTAGAGGGAAGTAAACCGCGGGAATGGTTTATACATATACAGGGACTGAAGGGAAAAATCATAAATCAAGT  
AAAAAACCTCTCAATGGAAGCTGGTGGTAAGGGTTCTGCTAAGAAAGATCTCAACTCCCAGCGGAATACATTT  
CGCGATATTTTGGAGTTTTTTGAGGATGGTTATTGTCCTGAAACTTCAATGAAGATTGGAGGTGATCCGTTGC  
AGACTTCGACATGGACTCAATTGATTCAAGTTGAACTTCGTAAAGCATTTTCTTGGGGGTAGATTTGTCAAGCAC  
ATGCAGGAGAACGAATTCCTTCATGATGTCTTCGGATTCACTCCGAAGAAAAAGTTTCCCTCGGACAGCGAAC  
ATCGGATATCAACCGCGGAAAAAAAGGATGTTCAAGTCACCAATTCAATCGTCAATAAGGCAAGGACTCAG  
CATTTGAACAAGCAGCGAATGTTAGTTGAGGGGAGAAACATTGGACACTATGCTGTAAACGTGGGAGAGTGA  
GATGTAGGATTTTTATTTAATTGTCGAATTGAATTAGATATTGAGGAGAGGAGAGGAGAGGTGTTGTGTTGTT  
AAAGGGAGGCTGGTTCGATCCTTCACTTCTTCTCTTGGTCTATTATCATCATCATATTTCAAAGATTGTAAAT  
AGTAGGAATTATAATTACTCGCAGTTCAATATTCTCATGTTTTACTTCATAAGTGCTGACAATTCACACTTAATT  
TCGATTTAGCATGTAATTCTCCGTTATTAGACTTGTTATTTTGTGAACCTTGGGCTTGAGGTTATTGGCATGTGC  
CATGTTAAAGATGAGCCCTTAATAATAACTAATCATCTACATGCTTCAATACAAGCATTGTTCAAGTTTCGTAT  
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2186 NM\_001123834|Arabidopsis thaliana NDF6 (NDH DEPENDENT FLOW 6) (NDF6)  
mRNA, complete cds

ATCCTTTCTTTCTTCTTCATGCTCAATAAGATTCCAAAACCAACCCAGGTAATAGTTACCTGTTTCTATCTTTTC  
TTCGACAACAATGGCTAAGGCTATTGCAGGCTTCAGCATTATCAAACCAACTCTGCATAGCTCAAATCTCCACC  
CCAAATCAGCTCTCATCCACATTCAAACTGCTTTCAAACCTCTGGAGGTTTCAGTCATCAAGAACTGCCTAAA  
GTTGCAAAGCCAAAAAGGGGATCTCTAAGCAAAGTGAATGCCTTCCCCGATTGGCAATTGATGGCAGTTCTAG  
TTGATCATTTGGATGGCCAAAGAGACCTTGTTACCCACAAATCCATAGTGCATCTTAGTGATGAAGCTATAAA  
GAATGTCTACAGTCTTTACATCATGTTACATGTTGGGGTTGTTGTTCTTTGGCTCCATGAAGGATCCATATTA  
TGACTCAGAGGTGTACAGGAAAGATGGAGGAGATGGAACAGGACATTGGGTCTATGAAAAGCAAGAAGACA  
TTGAAGAAGCAGCAAGAGCAGACCTATGGAGGGAGGAGCTGATAGAGGAGATTGAACAAAAGGTTGGAGG  
ACTTAGAGAGTTGGAAGAAGCTGGAAGAATAAGAGGTTTTTGGGAATCATCCATTTACGTTCTTAATTTAT  
TACAACATAAATCATTCTGTGTATATAATATTGAAACACTTGGGATTCTATAGCTGATGGGAATGTGACAGTTG  
TAGTAAACAGCAGAAACAATCCAGAAAAACACAAGAAATATCAGTTCTTGTGAAGAATTTGCCTCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAATAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2187 NM\_120224|Arabidopsis thaliana LMBR1 integral membrane family protein  
(AT5G01460) mRNA, complete cds

ACCCTCAAGGAGAAAAGGCGGAGACTGCATGGGCATTGACTGTTCTTGGCTACTTGGCAAACTTGTGTTGG  
GAGTTTTGGGGTTGATTGTTTCAGTGGCGTGGGTTGTACATATTGTTATATATCTGCTAATTGATCCCCATTG  
TCTCCTTTTCTGAATGAAGTTTTTATCAAGCTGGATGATGTTTGGGGACTCCTTGGAAGTGCAGCATTTCATTG  
TTCTGCTTCTACCTTCTTCTAGCAGTGATTGCTGGAGCCATGATGCTGGGCCTGAGACTAGTTTTTATCACAATT  
CATCCGATGAAGTGGGGAGCCACGCTGATGAACTCTTTCTGTTAATGTTGGGCTTATTCTCCTCTGTTCTATC  
AGCGTGATTCAAGTTTTGTTCCACGGCATTTCGATACTATGCACGAGCAACTGCGGCACAAGAAATCTTTGGAC  
ACACATTGCAGTCTCTTCGTGGTATCAAATATTTGTACAAGTATAACGTGTTTCAAATAGCATTCAATGCATTGG  
CGGGTTTGACTTTCGTGTATTATGCTGCCTTTGGATGGAGAAGAAAGAAGCCTTCAGGCAGGTTCCAGCTTTC  
CTCGTAATTGTACGTCTCGACTCAAAAGATCAAAAACCGACAAGGCCAACAAATGCTCTCTTGTTCATCATCC  
ATTTTAGATTAATTTGATTTGACGGTCGTATTTGGCGGAGTTTTTCTTGGTGAATCTTGTGAAGTTGGCAGA

AAACATCCAGAGTTGAGTGACTTCAATATACAAATGACATAGTGAGTGCTGCTGCTTCTTGACTCGTTTGTACT  
TTTAAAAAAGGCTTTTGTATGTATTGTTTCTTTGATTTGTGTTATACATTGGCTTAGGCATGTAAAATTGAAA  
GATGGTTTGTCTTTGCACTCTGAAATATGGTTTTTAGGAAAATGCCTTCTTTGTAGTATAGCCAATTGAGGA  
TGAATAGTTGTAA

>trans\_c\_2188 AY052722|Arabidopsis thaliana At1g47640/F16N3\_6 mRNA, complete cds

ATATCAAGGTGAGGGCTTGGCTGGATCGTGGTGGAGTAATTTTGAGAGAGAGCAAAGCAACGGCGGAATAG  
AGAAAAAGGATGACGGTATTTCAATTTCTCAACTGTGCCATTCTCACTTCGGTCCTCATGCTGTCTACTACTCT  
GCAACCCCCTTATCTGAGTATGATACTAGGAACATCAGTCAAAGCTGCACTTGTTTATCTGGGAACTGCCTT  
AGTAAAGCTTGTATGCCTTGCAACTTTTCTTAACGTCTCAGAGAATGACTCCTTTGACCCATATCAGGAACTGTT  
GAAAGCGCTCATCGGTTTTATCGATGTCGCTGGACTTTACTTTGCTTTGACCCAGTTGACTTACCGAAATATAT  
CTCAGAACCATAAGTTTCAGGCAGTTGGACTGGGTTGGGCGTTCGCTGATTCTGTCTTGATAGATTGGCACC  
ACTTTGGGTTGGGGCCAGAGGACTGGAGTTTACTTGGGATTACATTTTGCAGGGTCTTGAAGCTAATGCAAAT  
CTGGTGTTGAGCATATCTCTTGCTGCATTGGGATCTTTGATGTGGCTGAGGAAGAACAAGCCCAAGACTCTAA  
TTCCATAATATATGTCTGTGCATTGATCGTAGCTACCATGCCATCCATCACAAGCTACTTAAGGCGAGGAATG  
GGTTGGCATTTCCAAAGGTGGTGGGATTTGAGCTCTTCACCTCTCTGGTGATGGCTTTTATTAGTTGGCAGCT  
TTTCTCTGCTTGCCAGAGGCCCTCTGTTTAAGGGTCACCTCTCTACTACTGAGAGGATATATTGAGGCTGGAC  
GTGAGTGACTTTTGGATATGAACCAACCTTCTTTTTTGTAGCTGTTTTCCGCCTTGGTATTTTTCTTTTTTTTT  
TAATCATTTGCATATCATAGTGTTGTTTAGTTTCAGATTTAGTTTTGGTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTGGGG  
GACGCTTAGCT

>trans\_c\_2189 X96974|S.oleracea mRNA for proteasome 37kD subunit

AACTCCATCAGCGATCTGAGCGACCGGATTAGCTTACAAAATTGTTCTTGCTGTTTCTGAATTCGCTTTCAGG  
ATAACAAAAAATGTCTAGAAGATATGATAGTCGAACAACAATATTCTCTCCAGAAGGCCGTCTTTACCAGGTT  
GAATATGCAATGGAGGCAATTGGAAATGCAGGTTCTGCAATTGGGATATTATCTAAAGATGGAGTTGTTTTGG  
TAGGTGAAAAAAGGTAACCTTCCAACTCCTACAGACCTCAACTTCCACAGAGAAGATGTACAACTTGATGA  
TCATGTTGCATGTGCTGTGGCTGGAATAATGTCTGATGCAAAACATTTTGATCAAACTGCAAGAGTTCAAGCC  
ATGCGATACACTTACGCTTACCAAGAGCCAATGCCTGTCGAGCAACTAGTTCAATCCCTTTGTGATACAAAGCA  
AGGCTACACTCAGTTTGGCGGTCTACGTCCCTTCGGTGTTTCATTTCTGTTTGCAGGATGGGACAAAAATTACG  
GCTTTCACTATACATGAGTGACCCAAGTGGAAGCTATGGTGGTTGGAAAGCTGCTGCAATTGGTGCAAACAA  
CCAGGCAGCACAGTCAATGCTCAAACAAGATTACAAGGATGACATCAGTAGGGAAGAGGCCATCCAGCTTGC  
ACTTAAGGTGCTTAGCAAAACCATGGACAGCACAAAGTCTTACTTCAGAAAACTTGAATTAGCTGAGGTTTTTC  
TTTACCTTCTGGCAATGTCAAGTATCAAGTGTGCTCACCTGAGTCTGTAAGCAAGTTGTTGGTGAAGTCCGGT  
TTGACTCAGCCAACAGCTGAGGCTTCCTAAACACCTCTTAGTTGTTGGATTACTCCGTTGTGCTAGGTCTGGCA  
TATTTTATGAACCTTCATTTGACTCAAAGTGAACACTGGTATTTGGATATGTTGTTAGATTGTTGAGCTTATCTTT  
ATTTTACACCTTATAAAGG

>trans\_c\_2190 Novel Gene

TAGGTTCCAGTCTTCCCAGCAGGCATTCTCTCAGCTACAACAGCAGTTGCAGCAGATACAACCACCAAATCAA  
AGTTCAACATTGCAACCGAGTTCCCAGCCTATTAAGCAGCAGCCTCATTGGGCAGGGGTTGGGCCACATACAG  
CTGCCAGTGCCACTTCTGCAACTTCAGATGCACATACATCTACAGTTCCTCCTGCAGCTAGAAATACCCAAGTT  
GTAGCTCCTGTAAAATGCAATTGGACAGAGCACACTTCTCCTGATGGCTATAAATACTATTATAACAGTGTTAC  
TGGTGAGAGTAAGTGGGAGAGACCTGAAGAGCTTTCCGTGATTGAGCAACAACAACAAAAGCCACCAATACT  
GCAGCCTCATAACCAGCCACATCCTCAACTGCTATCAACCCAGCAACTTTCTCAAACCTCCCAACCGCAGCTTC

AAACTCAGTTCCAGACACAGTCCCCGATGCCTCACCTCAGCCGCTGCTGCAACCTTCATTCCATTACAGGAA  
GGTGCGTATACACAAATGCAGCCAACGAATAACTCAGTAAATGATCCTACTCGCTTCCATCAGGGATTTC  
CAACTCAAGAGTGGGCATGGAAGAATAAATAATCAGCAGGAACTTGCAGTGGAACAATGCGATCTGCATGCA  
TCTGCCATTCAAGTAGTGAAATGAAGATATAAGTTCTAAGGCAGAGAGTAACAGCTTTGTAAGGTACAAAAAC  
CACAGATAAGATGAGCAATGCTTCAAAGGGAGTTTGTCTGCCACAAATTCTTTACTGTGAAATGATATTCTA  
TTGCAGTTAATAGTGTGGCACCATAGAGAACATTTAAATGCATCGGCTTAGTTTAACACAATGCTATAAATGTA  
TCATATTGCTTAAATTCCTGTATTGCTCACAAACGTGTATGTACTTATAAATTAGTCTTTTGTGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2191 AY050865|Arabidopsis thaliana At4g16490 mRNA sequence

AAAAGATTGAAGATTCCATACTAATTGCAACACTCATAAACAAAAACCAAATATTACCTCTTTTCTTCCCATC  
ACATTCCTTCTTCTCCGGCCATGAAAATTTCCCATAAACGAAACTCTATATCAAATCTTCTACTGCTTTTCAAC  
TGAGATTTTGGAAATGGTGTGCTTGAAGATTCTCACTCCACTTCTAATCGTTTTCCTTTGACCAGAAATTGTTA  
TAGTCCATCCTCTACTACTTCCAGTAAATCAGCAGGAACATTGGCCGTTCTATGCGTACTATTCGTTCTAATTT  
CTTTCAAGATGATAATAGTTGTACCTTTAATGGCTCTGTGCTGCTAAATCCGTCTGTGTCTCTGAAAATCTCAC  
TGATTCTGTATCGACTTGAGACTTGGCGAGTTGGCATCGCGTAGCCCTAAATGGTCTAAGCAATCTTCTGAAC  
AGGAACAGGATTTTCTTGAACCTTCTCATGCTTTCAGTGATTCTCCGCTTGTAGTAGTGATATTTCTGGAGAAT  
TGCAGAGACTTGCGAGTTTACCTTCTATGGCGGTTGTTCTCAACGAGAAGGTGAAGATGGTGACCCGGAGC  
CTGAACCGTGTTTAGGCTTTTACAGAGGGAGAATTTCTCTACTGAGATTATTGAGAGTATTCGCTGAAGAT  
CTACAGCCGACTGTTAAGATCTGTATCGATGGGCTTCAATCTTCGTCATTGCGGTGAAGCGATCTGCGGCGG  
CTAAACTGAGGCTTCTGGCGAAGAATCGGTCTGATAATCGTGTACTCATTGGGGAGTCTGGGGCTGTTCTGCT  
TTTAATTCCTTTGCTTCGATCTACCGATCCATCGACACAAGAGCACGCTGTAAGTGCCTTGCTGAATCTCTCTCT  
CCATGAGTCTAATAAAGTTATTATCACAATGCTGGAGCCGTGAAGTCGCTGGTTTATGCGCTCNAACCGGT  
ACGGAAACTT

>trans\_c\_2192 NM\_001057383|Oryza sativa Japonica Group Os03g0666700 (Os03g0666700)  
mRNA, complete cds

TTGGGCCCAATTACCTGACCCTAATCCTTCCCTCTCTCTTCTTCCATTCTAACAGAAATTTCTTTTCTCTTTT  
CATTGCCTTTCTCTCTATTTCTCCTCCTTCTCTTCTTCTCATTTCATTATCATTCCCATTTTCCGCCTTTCTTTAC  
CTATTTTCTGTTCTCCTTCAATCCTTCTCCGCTCTTCTTATTGCTTGCTGATTCTTCTCCCCGCGTCGTCACGTT  
TTCCGCCGATTTTCCGACAGGTGTGAATAGGCAGAGAAGAAGTTAGAGAATTTGAAGGAATTGTGCATCTTGT  
TTCTTTTGAAGCTGTGGCATGCTGTAACCTAGATTGAAACAAGCGATCATGTCACTAAAGAGCCAGGCTGAG  
CAACTACTTAAGTATCTTGTTCTATCAGATCCTGTTGTACCATATATTTCCATTCCCGCAGGCGTACTTGCGAGC  
AAATTGGTCTATGATCTTACTGATTTGATTAGCGGTGTTTACTTCAAGAGCTATTCTAATCTTTCTAGGATTCAG  
CGGGTGGAGTGGAACAACCGGGCAATGTCAACTGTCCATGCCATTTTCATCACAGCAGCAGCATTATACATGG  
TGTTTCTATCAGATCTCTACTCTGACCGATATTTGGCCCTATTACCTTTCGTAGTTCAACAATATCTACATTTGG  
CCTGGGTGTGTCTGTCTGTTACTTCATAACCGATCTTGTGATGATCCTTTGGTTTTACCTGCAATTGGTGGAA  
TGGAGTATGTGATACACCATCTCCTTCTCTTAGCTGTGGCCTATGCCATGTTGACTGGTGAGGGGCAGCTT  
TATACCTACATGGTTCTCATCTCTGAGACAACCTACCCCTGGGATCAATTTGAGATGGTACCTTGATACAGCTGG  
AATGAAGAAGTCAAAGCATACCTCATAAATGGAATTGTTATATTCTTCGCTTGGCTGGTTGCAAGAAATCTTT

>trans\_c\_2193 NM\_102013|Arabidopsis thaliana NADK2; NAD+ kinase/ calmodulin binding  
(NADK2) mRNA, complete cds

TCATCAAGAGAAGATGACTGTACTTGTGCGAACCTGACATACATGACATATTTGCAAGAATTCCGGGGTTTGGATTTGTCCAAACTTTTTATAGCCAAGACACCAGTGACCTGCATGAGAAAGTTGATTTTGTAGCATGCTTAGGTGGAGATGGGGTTATTCTCCATGCATCAAATTTATTTAGAAAGTGCCGTTCCCCAGTTGTTTCATTTAATCTCGGGTCCTTGATTGTTTGAAGTTCTCACACTTTTGATAGTTATAGGCAGGACTTAAGACAAGTCATCCATGGAAATGATCACTCGATGGTGTCTATATAACTCTAAGAATGCGTCTTCAGTGTGAAATTTTCGAAATGGCAAAGCTATTCTGGGAAGTTATTTAATATTCTTAATGAAGTTGTTGTTGATCGAGGCTCCAATCCATACCTTTCCAAAATTGAATGTTATGAACATGATCGACTCATAACAAAGGTCCAGGGTGATGGAGTCATTGTGGCCACCCCTACTGGGAGCACTGCTTACTCTACTGCAGCAGGGGGTTCGATGGTGCATCCGAATGTTCTTGCATGCTTTTTACTCCAATATGTCCCATTTCTCTCTCATTTAGACCAGTTATACTTCCCGACTCTGCACGACTCGAGTTAAAGATTCCCGAGGACGCACGGAGTAATGCGTGGGTTTCTTTCGACGGAAAAGAGAAGGCAACAACCTCTCAAGAGGAGATTCTGTTAGGATATCCATGAGTAGGCATCCACTCCCAACTGTAAACAAGTCTGATCAAACAGGGGATTGGTTTCGAGCTTGATTGCGTGCTTGAATTGGAATGAAAGGCTTGATCAAAAAGGCCCTTGAAGCCACAACACCATCAATGATTTCAAATTAATAAATGAGGTTTCTGTAAATCACTGTACATATATAGAAAATTTGGCTTTTACAGTAAATAGTCGATTCTCTAGTAGTTCTCTCAAAGTGG

>trans\_c\_2194 NM\_001051134|Oryza sativa Japonica Group Os01g0813400 (Os01g0813400)  
mRNA, complete cds

ACACGATCCCAAACGCATCTATCCAGAACGCCGCCGATGCCTCTCGTGCTCACCCATCCCAAACGTCACCGAACGTCGAACGCCAAACGCTAACTTCCGTTTCGAACGTCGAACGCCTAACGCGAACGCGAACGCCGCTCCCCGTCTCTTTTGCTGTCTTTGTTGTTTGTAGGCTGCTTGATTGATTACTTTTGTGGTTTCTTTTTTACGTATCAGGTTCTTAGACAAATTGAAAATACCCGGCTAAGGGAAAGGAGAAATGGGATTGACCTTCACCAACCTTTCAATAGGCTTTTTGCAAAGAAGGAGATGCAGATTTTGATGGTTGGTCTTGATGCTGCTGAAAAGACCACGATCTTGTAAGCTCAAACCTCGGAGAAATTGTCACAACCTATTCTACAATGGGTGGCATTGGCGGGTACCTCCTTTTCGTTCTTCAGAGAGTTGGTGCTGTGGTGCGTAATGGGGGCAAGCTATTTGCTGTAGGGAGTGGTGCATCTGTGGTTAAATTTGCCAAGTGGAACCCTGAAAAGGATTTGCTAGCCATGGTCACGAAAGACTAAAAAATTTTGTTCAGCGTTTCAACTGGCAAAGGTTATGGACTATATCACTTATGTCCTTTACAAGTCGAAACCACTAAATTGGGAGTTATGATGTGGAAGTATCTTCTTTGAGGCATGAAACAAAACAATTAATGAGAGGTTGGAAACCGCAAATGCAAGAGCTCAATCGTTTGAGAAGAAACAAGGATATTGCAAGAAGAAAAGGTTTCATATTGTAGCTTAGACATGTATATTTTGTATATATTAACAAGAAAAGGTTTATATTGTAGCTTAGACATGTATATGGTTCATTGATATATATATATATGCAATTCTTTGATGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2195 AJ844022|Plantago major mRNA for thioredoxin 2 (trx2 gene)

CTCCCCCACCTTTTTTTTTCCCTAACTTTTATTCAGCTCGAAGAAACCTCCATTTATTCTTTCTTTTTCATTTCCCTGTTCCATACTTTTCTTTTATTGCTCTTTTCTCCACTTTTGGTTGAAACTGAACCACTACAGGTGGGTTTTGATTCTGCTTCAACAGAGATTGATTTTGACGCCATTCTTTTCTGGGGTTCTATTTTATGCTGTAAATCTCTGAAGGGCCGTTTGATTAATTCATTTCTCTCCACCATGGCTTGTTGTTGAAATCTGCCCTCTCTGTTTCAGGGCTTAAGGACAATTTGGGTTGCTCTATTTTCATCTGGGATTTCTGGGTTTTCTACTTCTATTTCTGCTTCCAATTTAAAAGGTCTAAGCAGCCAGGGTTTCTGTTTTGAAAGTCGATTTCTTGGGGACACCTGTAGTGATTTTCGGATCAAATGGTGTTACGAACTCAAACCCTAAAACCCCAAATCGCTTTACCATTAATGCACAGACGTCTATTTGTATAAGCCGAGCTCGGAGATGGTGGGAAAAGCTTCAAACCTAATATGGTGGAGATCCACTTGCCCAAGACCTTGTTGGATGCATTGCTTGATGCTGGCGATAGATTGGCCATTATAGACTTCTATTCTCCTGGCTGTGGAGGTTGCAAAGCTCTTCATCCTAAGATCTGTCAACTGGCTGAATTGAACCCTGATGCAATTTTCTCAAAGTTAACTTTGAGGAGCTCAAAACCATGTGCCAAGCTCTTCATGTTTCGTGTTCTTCTTTCTTTAGATTCTATAGAGGTGGAGAAGGTCGTGT

TTGTAGCTTTAGCTGTACAAATGCAACTATTAAGAAATTCAAGGATGCATTGGCAAAACATGGAACCGACCGG  
TG TAGCATCCTTCCAGCTAAAGGATTAGACGAGTCCGAGCTCCAACAGTTGGTAATGGCAGGTGAATTATCAG  
GCCTCTG

>trans\_c\_2196 EF571287|Phaseolus vulgaris cultivar Raven eukaryotic translation initiation factor  
iso4E (eIFiso4E) mRNA, complete cds

ATTCGATTCGATAATTTTCCCTTTTTTCCCCCAATTTCAATTTCTAGGGGGTATTTTTCAGCGCCCAAGATATCG  
GCCGGTGAGGCGGCGGTGGAGGGTCGCTCGTGGCGGTGGCGGCGGCGGCGTCAGAAAGTGGCCGATTCCAA  
TCCGAGTCCCATAAATTGGAGAGAAAATGGACCTTTGGTTTGATAACCAAGTCCAGGCCGAAGCAAGGTGCT  
GCCTGGGGCACCTCTCTTCGCAAGGTCTATACCTTCGAAACCGTCGAAGAATTTTGGTGTTGTACGATCAGTT  
ATTCAAGCCAAGCAAGTTACCGGCGAATGCAGATTTTCACTGTTCAAACTGGAGTTGAACCGAAATGGGAA  
GATCCCGAGTGCCTAATGGAGGAAAATGGACTGTCACCAGCAGTAGAAAGGCTAACCTTGATAACATGTGG  
CTGGAAACGTTGATGGCTTTGATTGGGGAAACAATTTGAGGAGTCTGATGAGATCTGTGGCGTAGTTGCCAGT  
GTGCGCCAGAGGCAGGACAAACTTGCTCTGTGGACCAAGACAGCAACAACACTCACTGCTCAGATGAGCATT  
GGTAGGAAATGGAAGGAGATTATCGACGTAAATGACAAGATTTCTTCAGCTTTTATGAGGATTGAGAAGG  
GAAAAGTCAGCAAAAGCTCGATACAGTGTGATCATTAACTGCATCATGTGCGAGCTGCTAAATTTGAGGAA  
GATACTAAACAATATATTTTCGACATACTTGTCATTGTTACATTTCTTTCTTTGGGTTTGTATTTTATTTCAA  
GACGAATCAATTAAGATCTTCCATGTTTTGAAGAATGCGCAGAATTTTCTTCAATGTAGTAGCCTTGTCATTT  
ATTATTTAGATCCGTTCTATTGAGAAATATACTGATATTATGTATAATTAATTGTATTGTATGTTTACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2197 NM\_100795|Arabidopsis thaliana transcription factor (AT1G09250) mRNA,  
complete cds

AGAGAGAGAGAGAGGAAGAGAAAGGGAAGTAAACGTGTTTGAAGGACTCAGAACGCGTGATATTTTCCCG  
TGATTCTTTTAAACCCTTTCTTCTCTCTCAAACTCAAACCTTCATTCAATCTTTCAATCTTTCAATTGATTCT  
CTCGCTGATTTCTTTCTAATTCAACGCTTTCAGCTTATACTATTCCATGGACGCCGATCAATCTAACAATTCCACA  
ACGTTATTGCCGCACCCGGCCAATAAGCGACCACCTAAAATTATAACCGACGAACCTACTCAACACACATGGA  
AACTGAAATCCAGCAACAGATCTACTCATCTAGGCTCGCGGAAGCGCTTCGCCGAGTCACTCATCCACGCTC  
CTCATCTACGATTAACGGAAACCTAGTTCGCCAACTGCGGATTCTGTACTCGCCGCTACAGCCAAGGGGAGG  
TCTCGATGGAGTCGAGCGATTCTAGCCACTCGATTCCGCCAGAGCCTTGCCAGACGACGACGGAGGACGAAG  
AAATTACTCGCTCGTAAACCGGAGCTCAAGAACGAGAAGGCTAGGAAGTTACCTGCGGTGCAAAGGAAGGT  
GAAAATTTTGCCGCTTGTTCTGTTGTCGGAACTCTCGTTCCCGAATCTTCTGGAAGAAGCGACGGAT  
TATATATCGGCTTTAGAGATGCAGGTAAAAGCCATGACGGCGCTCGCTGAACCTCTCGCCGGAATCAAAGG  
AATATCGCCGGAATCTCTAACGATTCTTGAGATTGGTAATCGTTCCATAGATTGCGAAATCGGGATCGCCGCC  
GTGGTTTTTTTTTCCCTTCTTCTCAATTGATATATATATATATATTTGTTCCCGGCGGTAATATTATTTTATTTG  
TTTTGTTGTTATTCATATGTAATCTTATTTGTATATTTTAAATTATAAATTTAGATTCTAAATTTGGTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2198 EF490993|Arabidopsis thaliana GL2 expression modulator (GEM) mRNA, complete  
cds

ACCCTCTTCTTTCCCAACCCTTCTCTTTTCCCCATTTTCTCTCTAACTAAAATACCCACCACAATCCCATATCT  
TTGTTTCCCCACAATTTTCCATGGAGCACCCCAAGCAGGACCCCGATAACAAACCTCCCATCTCCACCCACGA  
TAACACCCCTAAATCTGATCCCAATGACGGTGTTTCGACCCCAATGGAGATGGGAATTGGGGTAATTTCTGTG  
ATGGGTTTCAGAGAACCAGGTTCCACCCAGAACGAGCAACCTGTGATTTGACGCCCTCAAGAAAACCGTGC

GTTGGAGTACCGAATTGGTTACCGAGTCCCCTTCCGTTGCTTCTTATTCATATGGATCGAATACGAATACCTAT  
GCTTCTTCCGCTCCTCCTCTTCGTTTCCTTCAAAGAGACGGTGGATTCTGTATGGAGCGCGCTAGGGAGATG  
GGGGAAGAAAGTCGGAGAAGCTACAAAAAAGGCTGAGGATCTGGCCGAAACACTTGGCAGCATTTGAAA  
ACAAGTCCAAGTTTTGCGGATGCTGCGCTGGGAGAATTGCTCAAGGGACAAAGGTATTGGCGGAAGGTGG  
CTATGAAAAGATTTTTCAACAACTTTTGACACAGTACCTGAGGAAAACTTCAAAATTCGTTTGCTTGTTATCT  
GTCAACGTCTGCTGGTCCAGTTATGGGTGTATTATATGTATCTACGGCAAAGCTTGCGTACTGTAGTGACAATC  
CTCTTTCATACAAGTCCGACGGGAAAACTGAATGGAGCTATTACAAGGTAGTGATCCCATTACAGCAACTTAA  
GGCAGTTAATCCTTCTCCAGTGGTATGAATCCTTCTGAAAAGTACATACAGGTAATCTCTGGTGATAACCATG  
AATTTTGGTTCATGGGGTTCTTAAACAAAATGGTGCTGTAGAATGCCTGCTAGAATTCCTGAAGTACAAGC  
AGTGCAATCGGTGTAAA

>trans\_c\_2199 NM\_100614|Arabidopsis thaliana 17.8 kDa class I heat shock protein (HSP17.8-CI)  
(AT1G07400) mRNA, complete cds

GATTCAATCAGATTAACCAACGAACGAATCTAACAAAAATAATGGAGAAAGGTGAACCATCGGGTGTGTTGTA  
CGAGGAATTTGAGCCTTTCTGCAAATGGAAAAAACTCGAAGACTCTGACGTTCTTGAGGTTTCTCTCCAGAA  
TTAAGAAAGAAGAATTGAGGGTTTCGGATAAAAAACAACCTCTATCCTGACGCTTTCGGGTGAGCACCTGACAG  
CCAAAGATGGGAAGAAAAATGCATTTCAACAGAGAAATCAAACCTCCAAAGGATATATACCCAGACGAAATTC  
GTGCTAAATTTGGTGGCAATGTTCTTTCAATCACAATGCCTAAGAAAGCTAGCCCCGCCAGAAATCAGCAAACC  
AAACCCGGACAATGCCTCTGAGGATAAACTAACACAATCCAATGGTAATGGTAAGCCAAAGAACTTCATATCC  
AGGTTAAAAAGTCCATTGTGCGAGGTTGAAATTTAGCAAGGAAACGGCAACGGCTATGGCAGTGGCGGTGGT  
GATTCTGGCCGTTGGAGTTTACTACTTGATTAATAAACTAAGAATGAAGCATATATATATATTTCTTTGTGTGAA  
ATACATATATAGAATCAAACCTTTACAAATTTCAACTTGAATTCATGAATAACAATTCATTTGCTAAGATCCTA  
ATTAACCTCCTTGATTTCTGCAATTTCTTTGAACCTCGGGATAGCCATCAATCCCCATAGCTGAGAACTGACA  
GTTCAAACGGTGGGGGATTCCAGATTATCCACTTTGATTTTATATTTGATGGTTTGTGTTTGTGTTTCATAGGT  
AAAGGACAAGGAATTAATACTTGCAATTGTATTTAGTATAAAGATTGATATGACATCTTAACCGTGCGTCGGTAT  
CACCAATTCGAATTTGTATCCAATTCTAGACACGTTACTTTGCATCAATGTATGTTCTTAATTAGGTAGTCCCAC  
AATCTGTGTCTTTTCTGCC

>trans\_c\_2200 AB201755|Fragaria x ananassa FrCH123 mRNA for chalcone isomerase, complete cds

ACTTCCCTTCCCTACCTACTCATTACTCACATCTCTACACATTTCTCACGGACGCTTTTTCCATGCCGCCGGTGCC  
TGATCTTCTGGCCTTCAGGTCGAGAACCTTCAATTTCCGCCCGAAATCAAACCTCCCGCCTCCTTAAGACTCT  
GTTTCTCGGCGGTGCAGGAGTTAGGGCGTTGGAGATCGGAGGAAATACTGTGAAATTTACTGCGATCGGTGT  
TTATTTGGAGGACAAAGCTGTGCCGTGCTCGCCGGTAAGTGGAGTGGAAGAGTGCGGCGGAGTTAATGG  
ATTCCGTTGAGTTCTTCAGGGACGTTGTCACTGGGGGTTTCGAGAAGTTTACAAATGTGACATTGATATTGCC  
ACTTACGGGTGAACAATATGCAATGAAAGTGGCAGAGAATTGTGAAGCAGCTTGGAAATCCATGGGAATTTA  
TAGTGATGAAGGAGCTGAAGCGATTAAAAAATTCATCGATGCCTTCAAGAACGAAAATTTCCCTCCTGGCTCC  
TCCATTCTTTCACTCATTTGCCTCCTAATACTTTATCGATTAGCTTTTCAAAGATGGGAACATTGGTGAAAAA  
AAAGAAGAGATGGTGAGAAAAATAAAGAACAACTGCTTAGTGAATCTGTGTTGGAGTCCATTATTGGGAAG  
AAAGGGGTTTACCTGCTGCAAGGCTTAGTTTGCTACAAGATTATCCCATCTCCTCACTCAATCTCAACCCAA  
CACTCCCAACATTTGCAATCCTGTCCAGAATCCAAATTCCAAACCATCTCAACAATTAATCATATCATATCAT  
CCATTTTCTATCTCAAATATTTAATAACTTTATTTTGTATGATACTGCATTCCAAGACTACTTCTCTTTTAGGT  
TGTTTTCTTGATAAATTGCTGTAATAACTAAATTAATTATAATTTTGTGTTTGTCTTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2201 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome



CGCCCAAAGTGTATATTTGGTTATTTACTAAAATCTCCTTTTGGCGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACC  
TTTGGAAAGATATAGTTGGGGGACATGTATGGTTAGGTTCCATTTGTATACTTGGTGGAATTTGGCATATCTTA  
ACTAAACCTTTGCATGGGCTCGCCGCGCACTTGTATGGTCTGGAGAAGCTTACTTGTCTTATAGTTTAGGTGC  
TTTATCTGTTTTTGGTTTTATTGCTTGTTGTTTTGTCTGGTTCAATAATACTGCTTATCCGAGTGAGTTTTACGGG  
CCGACTGGACCAGAAGCTTCTCAAGCTCAAGCATTTACTTTTCTAGTTAGAGACCAACGTCTTGGAGCTAACGT  
TGGATCCGCTCAAGGACCTACTGGTTTAGGTAAATATCTAATGCGTTCTCCGACTGGAGAAGTCATTTTTGGG  
GGAGAGACTATGCGTTTTTGGGATCTGCGTGCTCCTTGGTTAGAACCACTAAGGGGTCCTAATGGTTTGGACT  
TGAGTAGACTGAAAAAGACATCCAACCTTGGCAAGAACGACGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCTCCTTT  
AGGTTCTTTAAATTCCGTGGGGGGCGTAGCTACCGAAATTAATGCAGTCAATTATGTCTCTCCTAGAAGTTGG  
TTAGCTACCTCTCATTTTGTCTAGGATTCTTCCTATTTCGTAGGTCATTTATGGCATGCAGGAAGGGCTCGTGCA  
GCTGCCGAGGATTTGAAAAAGGAATTGATCGTGATTTGAACCTGTTCTGTTCACTGCTCCTTAACTGAGA  
CAGGCGATCTAATGCTTGAAGTCAAATCAATTGGATTCCACCATACATATCAGGTTGGACAGATCGGGTTAT  
ATTTTAAAAGTCCTCCTTTTTCTTTCTTCATTTCTATCTAATCTTTTTTCTGTTTTGGCTCGGCTATCCCTCCCT  
CTCGCCTCT

>trans\_c\_2202 NM\_100905|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR)  
family protein (AT1G10310) mRNA, complete cds

AGGAGGGAGAAGATGAGTTAAAGAAGCTGGGTGTGAATTTGGATCCATGGCGGTGTTGATAACAGGAGTTA  
GCAAAGGGTTAGGAAGAGCCTTAGCCTTGAATTAGCAAATCGTGGCCATACAATTATCGGTTGCTCAAGGG  
ATCAGATCAAACCTTGATTCTCTTCAACAACAACCTTTCCAACACTTCTCCAAATCGACATTTCTTCTTCAAACCTCGA  
TGTGACATCAGACACCCATGTTCAAGAATTCGCACAATTTGTGCGCAAAAACAATCTTGTTCTCGTATTCTTGT  
GAATAATGCAGGTTTGGCACATAGAAGTGCAAAGATATGGGAACTTGAAGCAGAAGAATTTGATAATGTGAT  
TGATACAAACGTGAAAGGAATTGCTAATATTTTGAACATTTTCGTTCCCCTTATGATTCAAACAACAATGGAA  
TTATTGTCAATATGTCTTCTGGTGCTGGAAGATCTGCTCATGAAGATTTTGACCATATTGTTCTTCCAAATGGG  
CAGTTGAGGGACTAACTAAATGTGTTGCTAAAGGGCTACCAGATGGTATGGCAATTGTTGCCTTAAATCCTGG  
CTCTATACACACCGACATGCTTGTTTTATGCTGTGGTGATTGAGCTGCCCAATTTCAATCTCCTCACAAATGGGC  
TATAAAGCAGCAACTATGATTCTTGATCTTACTCCAAAAGATAATGGAGAGTCTCTAACAGTCAATAATCCAC  
GTGAACTTTCAACGGCATAATTGATTTTTATTTGATGTATTTGCATTCTCTTGCCCACTAAATAGACAATGATAC  
TTAATTTTGGATGCATGGTAGATTGTGTTTAACTTGTTAAACCAATAAGGATCATAAATGCTTAATGTGCCTA  
TTTGATGATGAAATAAATAAATATCGAATACACTAAAATATATCTCAAACATATCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2203 NM\_001062088|Oryza sativa Japonica Group Os05g0414700 (Os05g0414700)  
mRNA, partial cds

ATACAGAGCAGTTTTTGAGGATGGAACCTTCATTGATGGTTAAGAGGTTGCAAGAATCTCAGCGCACCGAGAA  
AGAGTTCTTATCCGAGATGGCTACCTTAGGCAGTGTAACCATGCAAACCTTAGTTCCACTTTTGGGCTTCTGCA  
TGGCTAAAAAAGAAAGGATTTTAGTCTATAAGGATATGCCGAATGGAACCTCCATGATCAGCTACATCCTGC  
TGATGGCAAAGTAAAACCAATGGAATGGTCTTTAAGACTGAAAATTGGGATAAGGGCAGCCAAAGGGTTAGC  
TTGGCTTCATCATAACTGCAATCCCCGGATCATCCACCGAAATATAAGCTCAAATGTATCTTGCTGGATGAAA  
GGTTTGAACCAAAAATATCTGATTTTGGTCTTGCAAGGCTCATGAATCCAATTGATACTCATTTAAGTACTTTTG  
TGAATGGGGAGTTTGGAGATATAGGCTATGTGGCTCCTGAGTATCCCGAACCTGGTTGCAACTCCAAAAGG  
AGATGTTTACAGTTTTGGAGTTGTCCTTCTTGAGCTGGTGACAGGGGAGAAACCAACTCATGTCTCAAAGCA  
CCTGAAGATTTTAAAGGGAATTTGGTGAATGGATTACAAAATTGTCTGAAGAATCCAAGGTGCAGGAAGCA  
CTTGATGCTACCTTGGTTGGCAAGAATGTCGACAGTGAGCTTTTACAGTTTCTCAAAGTTGCACAAAGCTGTGT

TGTGCCAACGGCAAAGGAGAGACCTACCATGTTTGAAGTATATCAGCTTCTAAGAGCCATAGGAGAAGGGTA  
CAACTTCACTAGTCAAGATGAGATAATGATGCCTACAACTCCGAATGCGAGACTGGCCTCGAGGAACTAATA  
GTCGCTCATTGAGTATAGGAAATTCGACGTGAAAGAACATGTCATTGCAAACAAATGTATGGAGAAGGATGG  
ATAAACTTGGCTGTAGAAAGAAC

>trans\_c\_2204 AY104120|Zea mays PCO142836 mRNA sequence

GAAAAAGAAAGAGAAGGGAAGAAAGCCCTAACAATATTCGTTCTCCCTCTCTTTTTCTGTGGAACAGCCCCAC  
TTGAACTTTCAGCCGCCCAAGAAATCCTCTCTCCGACAACCATTAGCAGCGACTACTAGTGACTGAGCGACACT  
AGAACCACCATCCAGCATCCCATTCTGTCTTCATCAACCACGCCAGACTCCGAGTTCAGCGACGGCGGCGCT  
TACATCCTTCGGTGGCGGTTACCATCGACACCCTGGAAACCCACGCGGTCTGAACACCCTGGAAGCGACGTTT  
TCCTCCCTTTCGGCAAGATCTTGATTTCCGAGAAGAATGGCAACATTTGAACTCTACCGCAGATCAACGATTGG  
AATGTGTTTGACTGAACTTTGGATGAAATGGTTCAGAACGGTACTCTTAGTCCCGAGCTTGCCATTCAGGTTT  
TTGTCCAGTTCGATAAGTCGATGACTGATGCTTTGGAATCACAAGTGAAAAGCAAGGTGACTATCAAGGGAC  
ATCTACACACCTATCGGTTCTGCGACAATGTTTGGACATTCATTTTGCAGGATGCCTCATTTAAAAATGAGGAT  
TCCAGTGAGACTGTTGGAAGAATTAATAAGTAGCATGTGACTCAAAGTTACTTTACAATAAGCTCTCATACA  
TCAGTTCTATTCAATGAAATTTGCATAGTTATTTGCTGATGATGGAGCGAATTCAGTCACGGTGAGGAGGAAA  
TGACCATCCAGGAAGTGATTCAAACGTGATTCTGTAAAGTCATCAACCTGAACGGCAAAAAGTTGCATTGACG  
ATACATAGACTGAAATTGGCTTCTAAAGTTGATTACATAACAATTACGCGATCCTTCTTCTAGTTAACGATAAT  
AAAACATGATATATGTTTCCATATTATGCTATTAATTTCTTGGTGAAGTAGTTCCTTTGAACTACTTTCTGTACA  
TTAGAATTCAAAATT

>trans\_c\_2205 AY048292|Arabidopsis thaliana At1g05070/T7A14\_6 mRNA, complete cds

AGATTAGATTGCAATATTCTTCACTCTAAATCTCTCCAATCCCCACTTCTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTTTCTTCTTAAATTTCAACTGTTTCAATTCACTCTCTGCAAATCTCTCCACTTCTCCGATGGCAATCAAC  
CCACTTCTTGCAATCCCTCACTCATCAAGTTGGGATTAGCTTTGATCGCCATTACCATTGTTGGTTACATTCTCG  
GCCCTCTCTCTATTGGCACTTCAAGGAAGGTTTAGCCGTCGTTAGTCACTCTTCTGCTTCTTCTCATGCCCTC  
CTTGTTTCTGCGACTGCCCTTCTCAGCCTGTCATCTCAATTCCTGAAGAATTGAGGAACTCTACATTTGCAGATT  
GTGTTAAGCATGACCCAGAAGTGAGTCGAGACACGGAGAAGAAGTTTGCAGACCTATTGTTAGAGGAACTGA  
AGTTAAAGGAAGCTGAAGCTTTGGAAAATCAACGCCGTGCCGATGTGGCTCTACTCGAGGCGAAAAAGATGA  
CATCCAGTATCAAAAAGAAGCAGACAAGTGCAATTCTGGGATGGAACATGTGAAGAAGCGAGAGAGAGAAA  
GCTGAAGCAGTATTAACGGCACAAAAGAGACTAACAGCTACGTGGGAGCAAAGGGCTCGCCAAAGGGGATG  
GAAAGAAGGCACCGCCAAATCTCGTACTCAAAAACAAGGAAATATTCAAAGTGCATAAAGAGAACATCCAAA  
CAGTATCACTTCTTTCATCCTGATTTTTTGTCTTCTATAAATATATTTTATCTTTTTTGGGTAGTAACTTAAAT  
CTACTCGACGTGTCGTCAAATAGATCGAAAGTGATTATTATAGGTATGTTTAGTGAATTGAAATGTCAATTACC  
ATTGTTAGTTCATCATAAGAAAACGTTCAATAGTTGAAAAGCAACTAATGAATTATTCAAAAAAAGAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_2206 XM\_002328691|Populus trichocarpa Cl-channel clc-7, mRNA

TTCCATATTGACAACTTGTGTCTCATTTGGTCTTCTTGGTTATCACAATGTTTACCATGCCCACTGACTTGGA  
TGATCAATGCCCAACCGTTGGTCGCTCAGGAACTACAAGAACTCCAATGCCACCTGGCCATTATAATGATC  
TTGCTTCTTTATTTTCAATACCAATGATGATGCCATCCGAAACCTGTTACATCTGCTAATGACAAGCACTTTC  
AGCTCCCCTCACTATTTGTCTTCTTTGTTTCTATCTATTGTCTTGGCATTATTACTTATGGCATTGCTGTGCCTTCT  
GGGCTCTTCATTCTGTTATTCTGGCCGGGGCCTCTTATGGTCGCATTGTAGGGAGATTATTTGGTTCAGTTGC  
TACTCTTGATGTCAGTCTCTATGCCCTTCTCGGAGCTGCATCCTTCTTGGTGGCACTATGAGAATGACTGTTTC

TCTCTGTGTCATACTCCTTGAGCTTACTAATAACCTTTTGATGCTCCCATTACTAATGTTGGTCTTCTAATTTCA  
AAGTCGGTGGCAGATATTTTAAATAAAGGTGTCTATGATCAGATTGTGAAGATGAAAGGACTACCTTTTATGG  
AAGCCCATGCAGAACCATTTATGAGGCAATTGGTCGCTGGTGGTGTGGCTTCTGGTCCCTTAATTACGTTTTCT  
GGGATCGAAAAGGTGCATAACATTGTCCATGCTTTGAAAATGACAAACCACAATGGGTTTCCTGTAATTTATG  
AACCGCCTTTCTCAGATAGTTTACAGAGCTTTGTTGACTTGTCTGAGGTCTCATCTACTTGTGTTTGTAGAGAAA  
AAAAATTTACTAAGAAAAAGGTGTCACTTAGATCAGAAATTTGGAGGGGCTTCAAAGCACATGATTTTGCAAA  
ACCAGGTTCTGGCAAAGGGGTGAACTGGAAGATTTGGAATTCACGAGGAGGAGCTGGAAATGTTTGTG  
ATCTTCAT

>trans\_c\_2207 NM\_001075094|Oryza sativa Japonica Group Os11g0708400 (Os11g0708400)  
mRNA, complete cds

AATCATCCTTACACCTTATGTTTCTGTATAACAATCACTATCGATTTTTTTTCATTTCTATGCTAAATTTCTAATTAT  
CACTTGCTTCAGTCAGGTCTGGATTTGCGAAAATGGTAGGGCCGGCGAGACCTCTTTTTGTGCTTTTTGGTTCT  
TCCATTGTTCAATTTAGCTTTGGCGATGGTGGATGGGGTTCTATTCTTGCCAATTTGTACTCTCGTCAGGCAGA  
TATCTTGGTACGCGGCTATGCTGGTTGGAATTCTAGACAGGCTTTACAGGTTTTGCATCATCTCTTCCAAAGG  
ACAGTCCCATTCAACCTTCATTGGTAATAGTTTACTTTGGTGGCAATGATTCTGTGCTTCCGTTCCCTTCTCTAA  
GAAACCTTGTGTACCGCTTTCTGAATATGTTGAGAACATGAAGAAGATAGCCATTCTCAAGAGCCTCTCA  
GAGAAAACCCGAGTCATCATCCTTACAGCCCCGCTGTGAGCTATGATCTAATTAAGAAAAAACTGAGCCTGG  
AGCAAGCTGAGTGTCAACATTGGAGTCTGTCTGTAATACGCCGAGGCTTGTAAGAATTTGCAAGAAGA  
TTGACGTGAAATGCATAGATGTCTGGTCTGCAATTGAGAAGAGAGATGATTGGCTCACTTCTTGCTTCACGGA  
TGGGGTTTCATTTAACAGCAGAAGGAAGTGAGATAGTTGCAGAGGAAATTTGAAGGTTTTAGAAGAGGCTGA  
TTGGGAACCAAGTTTGAAGTGGAAAACATTGCCAATTGAATTTGATATTCCAATTGAAGTATCCCCTAAAAGGT  
AATGAAAATTGATTCCACCCATACCTCATGCAAATTATTTTGGGCAAAAACCTCGATCATGGTTGCAATGTAA  
ATATACCTTGAAGTTTTATTTATAAAAAATTAAGTCTATATAAATTTAACCATTGAAGTATAAAAAAGACAAAA  
AAAAATAAAAAAA

>trans\_c\_2208 NM\_113584|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT3G26730) mRNA, complete cds

TAAGTTGAACGATTCTACACCTGTGGGTGAGAATGGGGCTATGGATGAATCTTTAGAACTTCAACAAAACCTCG  
AACGAGATTAGAGATACAAAGGACAAGGACTCGTATAATTTTTACCAGGCTACGGATGGCCAGCATATCATT  
TTCATCCATTAAACATGAAGTGTCTTTTACAACATTATGGGAGTTACGATAGGCTGCCACTCAGAATAAGTGGA  
AAGATTTTAGAATACGAAACGGTGACTCAGACGGAGGCCACAAGAAGGCGTTATCGTTATTTAAGTCATTTTT  
CCTTAACAACATCATTTTCTGCTGTGAAATTGATTTGACCAACCTATTGCCTTCGGTCTCCATGATTCCCTTCAT  
GGATGAGATAAAGAAGCGTGAGAAGCAGAGGAATCAACTGCAAAAAAGATGCGAAGGGAGAAGATCAAA  
GAAGAAGCTTCTTCAACGTGTTCTTTGTCAATGATGGCCACTTCAGGAAGTTCATATCATCACAATACTCCAAT  
CCTTTCTTTGGATGACTTTGAAGCTTTAGGAAGTTCTCCTGTGACATCATCAAGCCCTCCTCTCGGAGGGAGGC  
AACTGTTCTCAAGTGTTACAAGACTTGTTTCGCTGCCGCACATGATTCTCCATCCTTGAGAATTGAGGAACT  
GATTCTCTACACATTCATGAAGTGAAAAGTGATTTATCAGTTGCCAGCTCTGCAGGCACGCAGAATGCAACTC  
CATCTTTTGCAAATGTAATATCGAGGGCGAAATCTGGAGGAAGTATTGAATCTCAAAGGCGAATGAAGTGG  
GAAAGAAGGGGAAGAAACCAAGTCGAGTTCTGTTATCCACTGCAGGTGGTGGCGCTATTGAATAGTTGAAA  
GCGATCCTTGCGATTGTAATAGTAATGGTATTTGCAACTTCAGATGTATTAGAACGAATATGTCCGTTTGCAT  
TATCTGGCATTGATTAAATC

>trans\_c\_2209 AM931440|Arabidopsis thaliana mRNA for adenine nucleotide transporter ADNT1  
(At4g01100 gene), ecotype landsberg erecta

TTCCATACGTAGGTCTTAACCTTTGCTGTGTATGAATCACTTAAAGATTGGTTAATTAATAAAATAAACCATTCGGA  
CTTGTTGAAGATTCAGAGCTCAGTGTGACAACACGCCTAGCATGTGGAGCTGCTGCTGGAACAGTTGGTCAAA  
CTGTTGCCTATCCTCTTGATGTCATTCGTAGAAGAATGCAGATGGTGGGCTGGAATAATGCTGCTTCTGTAGTC  
ACTGGTGATGGAAGAAGTAAGGCACCCCTCGAGTACACTGGCATGGTTGACGCTTTTAGAAAAACAGTTCGTT  
ATGAAGGCTTTAGTGCAATTGTATAAGGGCTTGGTTCCCAACTCAGTGAAGGTCGTCCCATCAATCGCAATTGC  
ATTTGTGACGTACGAAATGGTGAAGGACGTTTTAGGAGTCGAGATTAGGATCTCAGACTGATTATTGGGTACT  
AACTTACATTTGTTGGACGGTCTGCTATTTTTGTAGGCAAGGGGGGGATGGCAAACCTAGGATGTTTTAATTAT  
CCTCTCTCCAAGAACTAGTTTAAGGCTGTATTGAGTGTGTTTTAGAATTTGCTTCCCTGACTTTAAATATCTTTCT  
ACAAACCTGTGCTGGCATAAGCTTTTATTCTTGTGCTATGTCAATAAATGTTTTGACGATAGAATAAGCACATT  
TGGATTCTCTTTAGATTTGGGAGAGCAGAGCTTTTATTGGATCTAGTTTTCATTTTCTTGCTATTCATCACC  
ATTATATACCAAGTTTGTCTTGCATATTCTTCAGTGAACAATGCTTATAATCGAGATAGCTGAATTTTTCGTGTC  
ACTGTTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCAAAACTTTATCA  
ATCCCCCAACCCCGG

>trans\_c\_2210 NM\_119741|Arabidopsis thaliana Rho-GTPase-activating protein-related  
(AT4G35750) mRNA, complete cds

AACTTTTCATTATGAACTGCTCTTCTTCTCTCTCCGACCAACTTCACCTCCTTGGTAAAGTCGAGGTTTTTAG  
ACTCCATGGTCGTGATAAGGCTGGCAGGAATGTCTCCTCATTGTGCGAAAATACTTCCAGCGCGGTTTGTA  
AGCAGTCAGGCCGTGAATGTCTATTTGAAGGACAAGATTTCCCTCTCCTTAAAGATGGGCCTTTCACGGTGG  
TGTACATTCACACTGATGTTCAATTGGACAGAGAATTGTCTGGAATTTCAAATCTCAAGGCAATCTATGAGGCC  
ATTCCAATCACCATTAGAACAACATTGAAGCTGTTTATTTCTCCACCCTAGCTTGCAAACCCGTGTGTTTTTT  
GCCACCGTCGGCCGCCTCATGCTTGACGCCGAGTTGTATAACAAGGTGAAATATGTGAAAAGAGTGGAGTTT  
CTTTGGGAACACGTTAGAAGGAAAGAGATGGAGTTACCTAAGTTTGTGTATGATCATGATGAGAAATTGGAG  
TTCTGTCCTGTGATGGACTCTGATTTGGAGAATGATTATCTCAGGGTTTTCTCCCCTTCGCCGTCTTTGAATTCT  
GGGGTGTCTACGTATTCCATGAGGTGTTTTGCTTGATGAAATGAAGACTCAAAGATGGGGTTGGGGATACAG  
GGGTCTTTTTTGGTTTTGTTGTAGGAGTTTTTTTCTTTTTTTTTTCTCTTTTGGTAGTAATGGCAGAAAATATTG  
CTAAGTGTTGTAGACTTTCTGTAGTAGGCAAAGGGAAAAAGGTTAATGGGCTTTCCTTGTGAAGAAAGGAAG  
AGTTAATACTTCACAGGAAAAGCAGTGAATAGGTTTAAATGAAGTTACTCTGTAATAAAATATATGTTTCATGG  
CATATTTGAAAATGGCATGTACTGAAATATAAATAAAATGAACAGGTTTTAACTTTTGACCACAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2211 NM\_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

CAGTTGAAACAATTTGGGGGTGGGGTGCTCCAGTGGTCAAAAGTTTTCTGATCCATTCTCTGAGATCTTTGTT  
TCCTCCTTTACCAAATCATTTGTAGCTTCAACTGGCTTTGGTGTTTTACATCCACTACTTCAGAACTTCCTTCT  
TCTCATCAGTAGGCTTCCCTTCCCAAACCTGTTTCTTGAAGTCTGCTGCTTGGCTTTCTTTTCTTGATTGTCTT  
CTGTGAGCCTCGTAGAAACCAAATCATCCAATATGCATGTTTTGCTCACATGCTCCTTAAAGATTTTAACCAT  
CTTAAGGCCAGGCTCCAGCTTGACCTCCTGTGTGTCTCTGCTATTGGTAACGGGCTTGTTCTCATTGTTTTCAAG  
AATGATGTGTTTCAAAAGACTGTTGGGAACATCCTTCACTACATGCCACTTAACAGGGAAACAGCCGTTCCATT  
TGTCTTGTTGCCAGTATTCCAAGTTCTTCTGAAAGTCGACTGGTCCAATCATCTCAGCAAGGCCAACAAATTGC  
CCACTGGTATTGACCGAAAAGAAAAGAAAAATGGGACAACCACAGCCTTCTCTGAGCTTCTGGTATGCAG  
CATCAAGTTTCTTGTTGCCATTAGGTGTACTAGCCCAAACATTATACTTGATACTTTTATGCACATCATCTTCACT  
GTATGATTTAATAACAAAGAATTTGGCCTCAGCATATTCTTCAGGAAAATCTGATTTGTTGTATTGATCACGGT  
CTGGAGTAGACCTTATCTTCTCTCCTCATCTGTAGCGTTCATTGGTGGTAAAAGTTGCCCTTCACAGCTA

GAACACTAGGCACAAATCCCTTCTGGTTCTTGCTACCCTTAGCTCTTGGTCCCCTATTCAGTTCATTCAAACCAT  
CCATATTCTCATTTCATATCCATAATACCCACCATTTCGACCCCTAGGCTTAAATTTGTTGTCCACCGCAAGCC

>trans\_c\_2212 AB236122|*Pisum sativum* coxVb mRNA for cytochrome c oxidase subunit Vb,  
complete cds, note: PscoxVb-1

ATTTACGTATTTCTCCATTACCAAAAAGAGGCCGCTAAAGAAGAGAAACAAATTGATTGAACAAAGAAAAGCT  
AACCAGTTCGCCGGAGAATCACCAACCATGTGGAGGAGATTGCTCTCTTTGCACCTCAATGCCCTAAAACGTC  
TTCCTTCATCATCGACGGCAGCATCTGCTGCTCCATCCGGATCCATTTCCACAGCCTCACGACTTGCTGTTGCTG  
CTTCATCTCGTGTCTCCCTCACCTTGCGTTTCGCTCTTCGCTCGCCATTTACGCGCTGAGGCTGCTGTTGATG  
CTGGTCTGCGAAAGAATGTTGAGGATGTAATGCCGATTGCAACCGGTCACGAGCGTGAAGAGCTTGAAGCTA  
CGCTTGAGGGAAGAGACATCCTTGATATAAACCAACCCTGTAGGTCCTTTTGGCACTAAGGAAGCTCCTGCTGT  
TATAAAGTCATATTACGATGAAAGAATAGTTGGGTGCCCTGGAGGTGAAGGCGAGGATGAGCATGATGTTAT  
CTGGTTTCGGCTGAGGAAAGGCGAGCCACTGAATGCCCTGTGTGCACGCAGTATTTTCGCGCTGGAAGTAGT  
TGGACCTGGAGGATCGCCAGATGGTTATGGAGATGACGACGATCACCATCACTGATTGCATACATTTTTTCTA  
GAATAAACTGGTACTTTTAAAGAAAGAGAATTCAAGCTGTGTGTATTTCGAGTTGTTGCTTCAGCAACAATAG  
AAATCTGAGTTTTTCCCTGTCAATTAGAGATAGAACGGGTGTCTTCCTTGGAAGATACAAATCCTTTTAGGC  
TTTCTTTTATGTGTTACCAAATAATTGGAGGCTTCTTGATTCTTTTACCATGACCCAAGTGGTAGTACAATAATA  
ACACACACCCCTTTTGATATTAATAGATAATTTGAGAACTTGCTAAATTCATTCTCTTCCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2213 NM\_179221|*Arabidopsis thaliana* RIN2 (RPM1 INTERACTING PROTEIN 2); protein  
binding / ubiquitin-protein ligase/ zinc ion binding (RIN2) mRNA, complete cds

TGTGATGAGCAGCTCGCTCGTCAGATAAGTGCAGGTCTTAATCGACAGAATCGCTACTATACCGACCCTCCCT  
ACAGGGATTTTCCCAATCAGACACAGAATCCGGTTCGAAGGCAGTCCTTGGAGAAGCACAAGTCTTGATCCA  
AGTTGGTTGCATGACTGGACCAGCCAGAGCATGGATGGAGCTGGTCCATCGAATGCTGCTAGATCAGTTGGA  
TTAGGTAGAGTTCAGATGATGATGAGACATCTTGCATCTGTTGGTGAACTTATGCCCAGACATCAATTGAAG  
ATTCTGCTTGAGCCTTTGGCCTCTTAATCCATCACAGGTTGTTGCTGGTGGTTCACAAGTTCCTCGAAATGTT  
GTTGGAAGACATCCTGGTAGTATGGGTGGTTTAAATATGAATGTAGCTCGTGCCTCAAATGAAAATCTAGCCA  
ATATACTTGCCATGGCTGAGACAGTTCGAGAAGTTCTACCTCATGTCCCCGATGAGTTGATTTTTTCAGGACTTG  
CAGCGTACAAATCTGTACAGTCACTGTGAATAATCTTCTTCAAATGTGACTGTCATGCCAGTGACATCCTTG  
TTTGCTTGCTTCATAAGATCTTTTCAGATCCTACCCTTCCCCGCTAGCTAAAGCTCAAGGAGGATAGGTAAA  
GGTAATCACATCGGTTAAATTAAGACATACAATTTCTTTTCATCTTTCTTTATCTCTGCATTCCATCATAAAATTT  
TCTCCTTTTAAATATTAACATATATATGATTTCAAGTAGCCAATTGTATCCAGCTCTGTTTCAAGAGAAAAAAG  
TGTGAAAACTCTATTTTATTTCTTGAGATGCAGATTGCAGATCACTGCATTCCCGACCCAACTACTGTGTAT  
TTGTGTACATTACTTTGCAAAAACCTCCATAATAAATGGAGTAGTTGGCTATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2214 NM\_001067414|*Oryza sativa* Japonica Group Os08g0120500 (Os08g0120500)  
mRNA, complete cds

ATATCGCTGGCAGGTTGGTCCCGAATTGTACTGGAAGTGAGACTGTCAGAATGGCACGGTCATTAATTGCAGC  
TCGTCATGCCGGTGAAAGGCTTTTGCATGCTGGGGCGGTGGAAGTGGCTGGGCAGTAGAGGATGCAAAGG  
ACAAGATTCATAAACTCTTGAGGAGTACGAAAGCGGAGGCGTCGTGAGTGAAGCTTGCCAGTGTATCCGTG  
ATCTAGGGATGCCTTTCTTCAACCATGAGGTTGTGAAGAAAGCATTGGTTATGGCCATGGAGAAGAAAAATG  
ATAGGATTCTAGATCTGCTGCAGGAATGCTTCAATGTCGGCCTGATCACCATCAACCAAATGACTAAAGGCTT

CTCTAGAATCAAAGACAGCCTCGACGATCTCGCACTTGACATTCCAAATGCAAGCAAGAAGTTCACATCCTAC  
GTGGAGCACGCCAGAAGAAAGGATGGCTCTTACCGTCGTTGGGATCATCTGCTGGTGCAGATTCTTCAGTGC  
CTGCAGCTTCCTGAGGGGAAGAAAAGAAAACAAAGTTTTAGATTGTTTATCTCATGCATGTTGTTGCCTCATTA  
ATTCTCTCTACACCGTCTCAAAGCGCCATGAGCGCTGCTGCTTTGCTCATCTCAAGGTAGCAGTAGATTAGAT  
AAATGATGGGGTCTTTTTGCTTCCTCCTCATGATGATGTTTTTCTTTATTTCTTTTTATTTCTTTTTCTTT  
AGCGGTGGTCTGATAGGAGATAATATGATCCTTTGCCATTGTACAAATATCGGGTCTGTTTTCTTTCTTTCT  
TTTCTTCTCTTCTCCTCCTCAGTAGGCAAAAAATGTTGTGATAATCCCATGTTGTTTAGACAGGATCTTTATAA  
CTCATAATATGCTGCTGCTTCGCACAACATGGAAAGGGTTGGTGGACAGTACTTTTCACAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2215 DQ822469|Medicago truncatula NADP-thioredoxin reductase C mRNA, complete  
cds

AGAGTGTTCAACTGCCCAAATGTTACCTTGCACTTTAACACGGAGGCTGTGGACATTGTCAGCAATACAAAAG  
GGCAAATGTCTGGCGTTTTAGTTCGAAAAGCTGACACTGGGGAAGAATCTGTGCTTGAGGCAAAGGGTTTAT  
TTTATGGAATAGGTCATCTGCCGAACAGCCAGTTACTGAAAGGCCAGGTTGAGCTTGATAGCTCTGGGTATGT  
GTTAGTGCAAGATGGTACTGCAAAAACCTTCTGTGGAAGGTGTATTTGCAGCTGGAGATGTGCAGGATCATGA  
GTGGAGGCAAGCTATAACTGCTGCTGGTTCAGGATGCGTAGCTGCTTTATCAGTTGAACGCTATCTTGTGAAC  
GAGAATCTTCTTATTGAGTTCCACCAGCCACTAACTGAAGAGGTTCAGAAGAAGGAACCAACGGACAGAGAC  
GTTCAAGAAGGTTTTGACATCACTCTTACAAAGCATAAAGGACAGTATGCTCTTCGGAACTATACCATGAAA  
GCCCCAGGCTTATATGTGTACTATACACATCACCAACGTGTGGCCCATGTAGGACTCTGAAGCCAATTCTCAGC  
AAGGTGATAGATGAATTTGATCAAAGTGTGCATTTTGTGAAATTGATATTGAGGAAGACCAAGAAATAGCA  
GAAGCAGCTGGGATTATGGGTACTCCATGCGTGCAGTTCTTCAAAAATAAGGAGATGATCAGGAATATTCCTG  
GAGTCAAAATGAAGAGCGAGTACAGAGAATTTATCGAGTCAAAACAAATGAGGTTATTAAGTTCAATGCCCTTC  
TTCTTCTGCCTTCAATTTTGTTCATTTGTATTAATTAATAAGCCAAGTGGAAGGCAAGGCAAGGCAAGGCAAGG  
CATGTCCTGTAACATTCAAATTTTACACTGTAGATTTTAGATACAGAGTTGAAAAAGGGCAAGGCAAGGCAAGG  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2216 AY224188|Medicago truncatula adenosylhomocysteinase (AHC1) gene, complete  
cds

ATCAAAAGTCAGAACGACAACATGAGAAGAAGAATCTCAAGCAAGCCAATGTCTTTACAACCTTGCTTTCTTCT  
TCTTCTTCTCTTTCTTCTCCTCCTCAAGATCTTTGTCTTGTTGCGAGCTTCCTCGACGCATTCTTGCAATGGCTCCA  
TAGCTGAGTGTGGTAGCGAGGACGAGATTTTGATGGAGTCGGAGATAAGCCGAAGGTTTCTCGCTCAACAAA  
AGAAATACATCTCCATTGGAGCTTTGAAGAAGGATCACCCAGCTTGCGACGGCGCTAGTGGTGGCCGACCTTA  
CACCAAAAGTGGGAGTTGTGCTCCACCACCGCTAATCCTTACGATCGAGGTTGCCCTAAGATATATCGTTGT  
AGGTCTGATGATTGAGGGTTTGATCAAACCATTATATGCTTGGTAGAATTTCTTCCCTTTTTTTGTTCTTTTTTC  
TTCCTTTTTTCTTTTTCTTTTCTGTGTGTTATTGTTAGGGAGGAGTATGATAGACCGAGAGATTGATCAACCGA  
CCAAACCAAGTGAAACCAAGGTGGTGGTGGTTCGGAAGGCAAGGCAAGGCAAGGCAAGGCAAGGCAAGGCAAGG  
AATGCTTAAACCAATAGTCAACCAACCAATGATCAATTTGTACTTCTTCGTGGTTTAGGTGATTTGAACATTTA  
TTCAACCAACCACTCTGACCAATGGCCACCCTAGTTCTCGTTGATTGATGAAGAGGTTTAATTATGAAATGAA  
TGGAATTTTTCTTTTTCTTTGTGATCTTTTTCTTTAGGAGATGATCTCATATTAGTTTCTGGAAAATAAAAAAGA  
GATGAGAAATGTTAGACATGTTTGGTTGGATATCATGTTGTCCAGGATGTAAAGTGTGAGAATCACATCATAC  
CTAATTTTATCTTATGTTGGGATTTATTCATTTTAACTACTTTTTCTCCTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_2217 HM579877|Brassica rapa C2 domain-containing protein (ZCDP1) mRNA, complete cds

AAC TTCTTCTTCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCGATTCTTCTTCTTATATATTCTCATCTCCATAACTTCAAC  
CATCAAATTCAGATTATCCCAACACTTTTGAAATGAGCAACATTAATCGTAATGGACTTCTTCGAATTCGCCTC  
CTCCGAGGCCACAATCTCGCCATTCGCGATGCTCCAACCTCGTAGCAGCGATCCCTACGTCGTCATCACCTGCGC  
TAACCAGAAATTCAAATCACGCGTGGTGAAAAGAAATTGCAATCCAGAATGGAACGAGGAATTCACGTTTTCA  
CTTACAGATATCAATACACCAATCAAAC TAGCAGTGTTTGACAGAGATAGATTACAAAAGACGATGGAATGG  
GGGATGCAGAGATCGACATAAAACCATACATAGAGTGTTTGAATATGGGATTAGAGAATCTACCAAATGGCT  
GTGTAGTGAAAAGGGTTCAACCAAGCAGATCAAACAGCCTTGAGATGAAAGCCCTTGTTGTTGGAATGATG  
GGAAGATCACTCAAGATATGACTCTTAGATTGCAGAATGTTGAATGTGGTGAAATCATGATTCAGGTTCAATT  
GTTCAATGTTTCTATTTTCAAAGGCCGAAGAACCTACTCTTAGCATGAACAAACCCTGCCCCCAACTGCCTTG  
GTTTTGATTTTACTTCGTCGTTGTTGCCGTCGGTGCTTCATTCTGCTTCTTTCTTCTGTTTTCTTATCAACAC  
CAACTTCAGAATTTGACCATTTAATTGGCATGTAAATGTAGATTGTCATTTTGTGATATAATTGTGAAATTGTA  
TTTACTATTGTTTGAGTACTTAGAACACATTATTGTGTTTTGACCCGATATTTATTTCAATTTCTTGCTATAGTTT  
TTTGTACTTTGAATGAAATTGATTCTATGAATAAAGTACTGATTGTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_2218 AY106901|Zea mays PCO090197 mRNA sequence

GAACTCCCAACTGCGCCACCGTCTGTTTTGACCCTTTTTCTGATCTCTCCCTTCGGATTAAATTAACCCTTTAAC  
TTATTCTAACTCTCAGATTCTCTCTCCCCCTATTGGCGGCAAGCAATTCTTGTTTCATCCCTCATTTTCTAAATT  
CTGAGATATGGAGCGATGGGCTATGAGATTTGTGGTGATGATGGCGTTTGTTGGGGTTTTGCTGTTGAATTTG  
AGAAAATCAGAAGGGATTAGGTTTGTGATCGACAGGGAAGAATGTTTCTCTCACCAGGTTCAATACGAGGGA  
GATACTGTTTCATGTTTCTTTTGTGTAATCAAGGCAGATTCACCATGGCACTATGGCGATGATGGCGTTGATCT  
TGTGATAAAGGGACCTACTGGTGAACATCTTCATGATTTCCGTGATAAGACTAGTGAAAAGCATGAATTTATT  
GCTCACAACAAAGGCCTTCATCGATTCTGCTTCACGAACAAGTCTCCATACCATGAAACCATTGATTTTGATGT  
GCACGTTGGCCACTTTTCTTATCATGAGCAACATGCAAAAGATGAGCATTTCAACCCTTTGATGGATCAAATAT  
CTAAGTTGGAGGAAGCTCTTTACAATATTCAGTTTCAACAACATTGGTTAGAGGCTCAGACTGATCGTCAGGC  
AATAGTGAATGATGGAATGAGCAAAAGGGCAATCCACAAGGCAATGTTTGAGTCAGCAGCACTGGTAGGGG  
CCAGTGTCCTCCAAGTCTATTTGCTGCAGCGCTTGTTTGAAAGGAAGCTTGGAACATCCAGAGTTTAATCAAAC  
AAATTCACCTTTCCCTTCTTTTCTTTTCTTTTCCCTCTCTCCTATTTATGGCTTTATCATTTTGTATCTTTTCCCTC  
GCATGAACCTAACATACTAGTTGGTTCTAATAAATTTTCTTCTCTTTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_2219 XM\_002873548|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata emsy N terminus domain-  
containing protein, mRNA

TAGTCGAGGTTCTTTAGGGGCCTTTGCTTCAAATGAAATGCTGAAGGAGCAACACATGAACATTTAATTGGA  
CGTAAGGTTTGACTAGATGGCCTGAAGATAACAGCTTCTATGAGGCTGTTATACTGATTATAATCATGCTG  
AGGGTCGTCATGCTTTGGTCTATGATATCAATACAGCACATGAGACATGGGAATGGGTCAACCTTAAGGAGAT  
ATCTCCTGAAGATATTAGATGGGAACGAGAGGTTCCACAGCATTGCGCAGTGGTGCTCGCCCTGGGCACGG  
GAGGGGCAATAAGAAGTCCATGACACGAGGCGGTGAGTTGCTGCTGGCGGAAGGGGTAGAGGAACCACA  
AAGGGTCAATCAAGGAGAGACTTACCTGTATCCCAAAATGGATCTCGGAAGCAGGCTACGGGTGATATTGAA  
ATACTTCACACAGACACGTTAATTAAGAGGTGGAAAAAGTATTTGCTGCTAATCAGCCGGATCCCATGGAGA  
TTGAAAAGGCCAAGAAAGTACTGAAAGATCACGAGCAATCTTGTCAACGCAATTGCAAGGCTCGAAGATG  
CATCTGATGGTGAAAGTGATGGGAGAGAACCATATTCTCAAGGACAATCAATGGTTCGTGTGTGATGTAAAG

TGACCCCGAAGCTCGAAAATGCTTATACCTGCAGACTTGCCAATAATCATCAATGGCAATGGTGATGAATCGA  
TTTTGTTGAATGGACACAGCAGCATGCTCAATCCGTTGTGGCATTTCATTTTTTTTTATGACCAACTGTGCAG  
TACTGGTGCCTTGCTTGGCTTTTGTATTGATTGTCAAAGAGTTCTTGTTTTATTTAATCTCTATCTTAACTT  
CACTAGAAATGTTCTTTCTGTAATACTTTATTCTATAGTCAATAGAATTCATGTAGATTAGTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2220 AB206873|Prunus persica mRNA, microsatellite marker M21a

AAGCTGAAAAGAAAAATTGAAAATACAGCACAAACCCCATCATTCCAAAAGCAAAAGCGAAAGAAGAGAGA  
GAAAAAGCGACAAACCCAGAAACGCAAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAAGAAGAGGAAGAAGAGGAAGAAG  
AACAGAGGAAATTTGACGGAAATTCAAAGAAAGACGAAAAGGGTTTTGTGGGTTAAGAGGATGCAGCCTGA  
ACAAGCTCAACAACAGCAACAGTTAATGGTGCAGAACAACACAGGAAGCTTAAGCTTCAGCAGCCATTTGTCT  
AAGGAAGATGAAGAGATTTCCAGGTCGGCTCTTCCACTTTAGAGCTAAGGAAGAGGAGATCGAGAGGAA  
GAAGATGGAAGTTAGAGAGAAGGTTCAAGCTCAGTTAGGCCGAGTTGAAGAAGAAACCAAACGCCTTGCTT  
GCATCCGTGAGGAAGTTGAAGCACTGGCAGATCCAATGAGGAAGGAAGTGGCACAGGTTCTGAAAAGGATC  
GATGCCGTAAACAAGGAATTAAGCCTCTGGGACATACCTGTCAAAGAAGGAAAAAGAGTACAAGGAAGC  
CCTGAAGCCTTTAACGACAAGAACAAGGAGAAGGTTGAGCTCATCACGAAATTAATGGAGCTGGTGAGTGA  
AAGTGAGAGGTTGAGGCTGAAGAAGCTGGAGGAGCTGAGTAAGAACATAGATACGATTGCGTAAGTGAATT  
GATTGATTGATTGATTGATTGGAGCGAAGGATGACAAAGCGATAACCCCTCTGTTTATTAGGCTTTTGGTGTGT  
GTGATGTATTTAATATAAAGAAGAAAAAGGACTTGTTGTGTATTTATTGAAATCTGGGTGTTCTCTTGTTTT  
TGGGTGTATTTTATAATTTGTCTTTGTTTGTATTTTCTTTAGAGAAGTTACTCAAAACATTTTAACTGAT  
TTTAGGAAGGGAATTGCCCTATAACAGGTTTGTAAC

>trans\_c\_2221 NM\_001051497|Oryza sativa Japonica Group Os01g0875300 (Os01g0875300)  
mRNA, complete cds

GAAAGAGAGTGTTAGTGAAAGAGAGGGTTAGTGAAAGACTGGGTTGAAGACTTCAAAAATCTAATAGGGTG  
GGGTGAAGTGGGGTTTGAACCTTACCTACAAGAAAGTTTAGTGTGCAGCAAAAAGAAGCTTTGAACTGGG  
TGTCATGGAAGGGTTTGAAGGTATGGTAAGAAGAGGGTGATGGTGGTGGTGGATCATACATCAAATTCCA  
AGCATGCTATGTTGTGGGCTCTAACTCATGTGGCTAACAAGGGTGATTGGTCACTCTTCTCATATTGTTTCTC  
ACTCAACAAACAGGCTCTCTGAAATGCCTTCTGAGTCTTCTTCTCCTCATTTCTTGCGAATTCTCTTGGCTATCT  
CTGCAAAGCTTCTAGACCTGAGGTGGAATTGAAGCACTGGTGATTCAAGGCCCAAACTGGAGACAGTTTT  
GAGCCAAGTGAAGAAGCTTGAGGCAGCTGTTTTGGTGGTACCCAGAAAAAGCCTTCACTGTTTGGCTGGTG  
GGTCCCAACACTCCCATCATCTCATATAGAAGCCTTTTTTTTTCAACCAAAGAAAAAACAGTAAAAAGTTTGA  
AAGGTTATGATTACTAACCTGGTGGACATGGTAATTTATTTCTCTTGAGCTTCTGTGGGACCAACAGCTCAGA  
GCAGCTTGTTGAACAGTGCATCAACCATGCAGATTGCTGTACAATTGGGGTTAGAAAACAGACCAATGGCAT  
GGGAGGTTACCTTATCAACACCAGATGGCAGAAGAACTTCTGGCTTCTGCTTAGTTGTCTTCTACATTTAACA  
GACAAAAAATATACCAATGCATCATCCATTAGCTTTAATCTTAATCTTAACCCTGTAAGTAAAAGCTAGAAT  
GAACTAGATGCTCTTAGATTGTAGAAGTCTTCATCGAAGTTCAATGTATTCCTCTCCCCCTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2222 NM\_001072044|Oryza sativa Japonica Group Os10g0580300 (Os10g0580300)  
mRNA, complete cds

ACTCTACACGCTTGCCTTCTTCTCTCCTCATGATTTTCTCTCTCTGCTGAAGAATTTCTAGCAAAATGGTCT  
CGACGACGGCCCTAGCTTAATCTCCACCCTCCATGGGAGACGGCAATAACTCCAACAGAGGCCTTGCTCCGC  
CAACGCCGCCAGCCGGAACAACAACAACAACAATAACGGCAGCCACCACAAGAAGCCCGAGTGGCTGCA



GCAGTACGATCTAATCGGGAAGATCGGCGAGGGAACCTATGGCCTCGTGTCCTTGCCAAAATCAAACCCCCT  
TCACCTAGTCGCGGCAAGTCAATTGCTATAAAAAAATTCAAGCAATCCAAGGACGGTGACGGGGTCTCCCCAA  
CTGCCATTCGAGAAATTATGCTACTGCGGGAAATTTACACGAGAATGTCGTCAAGCTTGTAATGTTTCATATC  
AACCATGCAGATATGTCGTTGTATCTAGCTTTTGATTATGCTGAACATGATCTCTACGAAATCATTAGACATCAT  
CGGGACAAGGCTAACCATCCCCTTAATCAGTATACCGTTAAATCCTTGCTCTGGCAACTTCTCAATGGTTTGAA  
TTATCTCCATAGTAACTGGATTATTCACCGCGATTTAAAGCCGTCAAATATTTTGGTTATGGGTGAAGGAGAAG  
AGCAAGGAGTGGTTAAAATAGCTGATTTTGGACTTGCAAGAATATACCAAGCTCCCTTGAAGCCATTATTTGA  
AAAGGGAGTGGTTGTCAACATTTGGTATAGAGCACCTGAACCTTCTCCTTGAGCAAAGCACTACACTAGTGCT  
GTTGATATGTGGGCTGGTGGATGCATTTTTGCTGAGCTTTTGACGTTGAAGCCATTATTTCAAGGTCAAGAAG  
TCAAAGGGCCTCCGAATCCTTTTCAGCTTGATCAACCCGACAAGATTTTAAAGTTTTAGGGCATCCCACGATT  
GAGAAATGGGCAAC

>trans\_c\_2223 XM\_002949645|Volvox carteri f. nagariensis plastid/chloroplast ribosomal protein  
S5 (prpS5), mRNA

TAAATGGAAATTTGGGTAAGTCTTATCGATCTTCTTATTGTATCATTAAACAAGTGATTAATATTAATCTGACTT  
GCATACGACTTCTTTTCCGTAATCAATGATGTTTATATGTGTTGGTAGTAAATTAATTCAGTTATTGTCCAAATC  
TAGCATCTTCACAAAAGTGCCTGTCCCTGGTTTGGGGCATAGGGGGAGAGAGAGAGTAAGTGCATGAATCAT  
GTTGAAAGTTTGAGAACCTTTCTTTGCTGATTCTACCAATCTTGGACATAATGAGTGGTTACAAGAAATAACCG  
AGTTTCATATTATGCCTTCTCTTCTCAAATAGGCCCTACCTTTCTCTCTCCAAAAGGGTACCAAATCATCTAAATC  
TTTACCCTAAAAAATTTCCGCACAGTTCTCGGCCAATTTGTTCTTCCCTACTAGTGGCTCTCTTTACAAGTCGT  
AGTTTCAAGTGTAATGCACGGTGGCCAAATTGAAAGACAAATACCCTATGGAATTAAACTGCATCCCCTCT  
TTCTGAATCTGATTCCGAAAGTGTGTCTCTCGGTCACATAGCTGTCGTTGACAGTCTTTTTCTTTTCTGCTGATGTT  
AACAGGTTGACGAGTGAAATTATCCATGTTTATCAGTTAGCTAAGGTTTCTTCTCAGTTTATTGCGAAGCATCA  
TTCCTCAATATGGTGGGAACCATGATTGTTGGTTCTTTGTGTATATCTGATACAGATTCTTGCCTCCTTGCTCTC  
CACCAAGTAGAAGCTTATATGCTTTCCAACTTCATTACCATATTACATAATAGTAATGGCCTAAGAAGCTTCATT  
AATCTGTATATTGTTGAAACAGCTAANAACCTCAAGATTCAAGATCTTGCAATTCAAGGTATTTAACAAAAAAAT  
TTTGTGAAGAATGCATTACGAAATAAGATCAACTAGTTTGTCTACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_2224 XM\_002317315|Populus trichocarpa multidrug resistance protein ABC transporter  
family, mRNA

AGAATTTTAGCGTTGGACAAAGGCAACTTTTGAGTCTTGCTCGGGCACTACTTCGGAGATCGAAGATTCTAGT  
TCTTGATGAAGCAACAGCGGCTGTTGATGTTAGAACTGATGCTTTGATTCAGAAAACAATAAGGGAAGAGTTT  
AAATCTTGACGATGCTCATTATTGCACACAGGTTAAATACCATCATAGACTGTGATCAGATCCTTGACTCGA  
TTCTGGTCGGGTTTTGGAGTATAAACTCCCGAAGAACTTTTATCAAATGAAAAAAGCGCTTTTTCAAAGATGG  
TTCAAAGTACAGGAGCTGCGAATGCCAAATACTTACGCAGCTTAGTACTGGGAGGCGAAGGTGAGAAAAGGT  
CAGGAACTGAAGAGAACTTTAAGGTAAATGGACAAAGAAAATGGCTGGCTTCCTCGCGGTGGGCTGCAGCA  
GCTCAATTTGCTTTGGCTGTCAGCCTTGGATCTTCACATAATGATCTTCAAAGTTTGGAGGTACAAGATGAGAA  
TAGTATCCTTAAGAAGACCAAGGATGCCGTAATAATGCTACGGGGAGTTCTAGGAGGAAAGCATGATACTGA  
AATTGAAGAAAGCTTGAAGGGACATCAAGTCTCTACCGATGGGTGGTGGTCTCTCTTTTCAAGATGATTGAA  
GGACTTGCTCTGCTAAGCAGATTGGGTGAAACAGGCTTCAAATTCAGAATATGGCTTTGAAGACACGAAGT  
TCGATTGGGATCAAAGCACGATCTAGTTATTGACCGAGATTCGGTTAGGTTAACGTTAGCTTGAGACTTTCTTG  
ATTCCAAATGTTTAGTTGTTGTTTCTTTGCATTACGTGGCAGCAAAGAATGGCTTTGGGAATTCGGATTTTGG

ACATAATACATGATTTCGTGTAACCTTTTAGGCAGTTTTTTTATTTCTCTTTTTCTTAATAAAAAATTTAAATTCCT  
AGAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2225 NM\_001074119|Oryza sativa Japonica Group Os11g0241900 (Os11g0241900)  
mRNA, complete cds

ATTCTGCATCCACAATAACTTTTAACAGGAGCAAGAGTAATCAGAATGCCTGTAGCTATGGAAATGGTGGGTG  
GGTCCTCGACAATAGTCGACCGCTATACTCTGGTTTTGGATGTAAGCGATGGTTATCAGCAATGTGGTCATGT  
AGACTGACCCAACGGACAGATTTTCTATGAAAAATATCGTTGGGTCCCAAAGATTGTGAATTGCCAGCATT  
TGAGCGGTCTGCATTCCTGAAAAGAATGCAGGACAAAACCATCGCGTTCATTGGGGATTCAATTAGGCAGGCA  
GCAATTTCACTCTTTGATGTGTATGGTCACTGGTGGGGAAGAAAGTCCCGAGGTTCAAGATGTAGGAAAGGA  
ATATGGTCTTGTCAAAGCCAAGGGCGCAATTCGTCCTGATGGCTGGGCATATCGTTTCCCAAATACCAATACTA  
CCATTTTATACTATTGGTCATCAAGCCTCAGCGATTTATTGCCTTTGAACACATCAGACCCAGCCACCGATGTA  
GCAATGCATCTTGACCGTCCGCCAGCATTTCTAAGAAAATTCCTTCATCTATTTGATGTGTTGGTTCTTAATACA  
GGACATCATTGGAACAGGGGAAAAATGAGACAAAATAGATGGGTAATGTACACTGATGGAGTTCGTAGTGA  
ACTCGGGAACCTAAAAGAAATAGGCATAGCTAAAAATTTTACGGTGCACAGTATCGTGAAATGGCTCGATTCA  
CAACTCCCTTCCCATCCTCAACTCAAGGTTTTTTTCAGGACCATATCACCTCGGCATTTCCGCAACGGGGAAATG  
GAATACTGGAGGTAGCTGTGACAACACGACACCGTTATCTGGAGGAAGCAGAGTAGAGCAGAATGGATCAA  
GTGATCCAGTTGTTGAGAATGCTAAGAGGTACACAAGTAAAGATGTTGGATATAACTGCTCTTTCCTATCTAA  
GAGATGAAGCTCACAAATCCA

>trans\_c\_2226 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

CCGATTGCCATATTTTCTTCTCCTTTTATCTTTCGGATTCTACGGTTTTTCGTTTCATGTTAACCTACGCTTCTGTTT  
CTTACTGTAAATCTGCTTTGATTCTTATTGTTTCGTAATCTTCACGCTGTTTCATACATATTATTCTTAATCTTGAAT  
TCGGGTTTTGGTCTTTGATAATGTGTTCAAACGCGACGGGAAACTTCTGCGAGGAAGTCTCTTACTAAAAGGA  
AGCAGACTAGTCCTATATCTGCAAAGTTCCGAGTAAACGTCGTACAAAAATTCCTAACGATGTTGATGGATTTCT  
CTTTTAGGAATGTCCTCCGTTGTGGGTGGTCTCATATTCCGTCGCCTTGTGGAGCAGCGTCGCTGCAATTGCC  
ACCTTGGAATGGCCATGAGACAAACACTTTAATTTCTCTATTGTAAAATTTTGGTGATGTTTGTGTTATTGATT  
GTTTTTCATGTGACGGGGGATTATAGATCCAATCCTTACTAGATATGGAGCGAACGCGTTATGTTTCGTATATTG  
CCGGAGTTAACGTCACAAAGAAATTAGTCGATGTCGATGGCTCCTGTTGGAGTCTCCATCGGCTGTTGTCGA  
GATCTTCCTTCTTATATTTCTACATCTAGGATCCGACTTGATAGTAACTATGATGATCCAATTGAATCATTATGG  
CAAGGAAAAGTTTAATTCAGAGGGGAGAAGAAGAGGCCAAAAATTGGAACAAAAATCGACGGGTCGGATGAGA  
TCCTTAAAACAAGAAATAAGCAAAGTTCCATCGTTGAGTGAGAAATGGGAAATTCATGGAAAAGTTACAATCCC  
TACCGCGTAATAGTGACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTAACCGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGA  
GACTTTGGGCTCTCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCACGTACACATGTTGCACCATGTTGCAACAG  
GTGTGA

>trans\_c\_2227 NM\_001062585|Oryza sativa Japonica Group Os05g0517200 (Os05g0517200)  
mRNA, complete cds

TAGAAGTGAAACCACAGGGGGTTACCAAAGGCCTTGTGGCTGAAAAGATCTTTTCATCAATGGCAGAGGATG  
GAAAGCTTGCTGACTTTGTGTTGTGCATCGGTGACGACAGATCAGATGAGGACATGTTTGAAATAATTGGTAA  
TGCATTCCAGTAACATTCTTTCTCCAACGACGTCAGTTTTTGCCTGCACTGTTGGACAAAAACCAAGCAAAGCC  
AAATATTATTTAGATGACACAGCCGAAGTAATAAGCATGCTTGAGTACCTGGCTGAAGCTTCTAGTCCATTACC  
ATCCTCCGATGATGAAGAAGGTGAAAATGCTTCTTGAAAGTTGAAACAAAATCCCATGTCACTGCTTTTCGG

GACATGTAGATCAAAGATCAAGTGGGAATTTTTGTACGAGAAGCTAGCTGGGTGATGAATTTGAATACATATC  
TCTTTACTTTCTATAGTGTCATTTTCCTTTCAGCTTTTCATGCTAGTTTTTAACTAGAAAAAGAAAGAAAATCATT  
GACCCTGGGTTTCAAATGGACAAGCTTTTTGAAGACGGTGGACGAGTTCAACTATTAAGAAGTAAAATGA  
ATCAATATCAGCCTGAGGCTTTGAACTTAAACCGCTGGAAGGGAAGAACTCGCCGATTGGAATGGCTCTGTT  
GACTGTACTGACATTGGAAGATATAATGTGGATAGTTAAATGAGAGAATAAGTAGCTAATTTAGCTGCCATG  
TTATGGTAGGATAGGTTAATATGAGGCTGAGCTCGCTCAACGCTCCGCTTATTTGAAAGGTTTTCTAATATGAA  
TCATATAATTTCATTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTTA  
TCAAACCCCCACCCCCGG

>trans\_c\_2228 XM\_002886241|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock family protein,  
mRNA

GTTTTTGAAAGGAAGGTTGTTGAAGAAGATAATTTCTGGAACCTTCTACGGGGTGCTCAATCGAACCAATAGT  
GTTTTCTTCTTCTTTGCCAAAATCCCTTTGAAGAACCCATCGGAAGAAGAAGGGACTAACGAGGGATAGT  
GAAGGGGAGATGGGAATCGACTATTACAAGGTTTTACAAGTTGATCGCAATGCCAAAGATGATGATTTGAAG  
AAGGCTTACAGGAAGCTCGCCATGAAATGGCATCCCGATAAGAACCCAAATAACAAGAAAGAAGCGGAAGC  
CAATTCAAGCAGATCTCTGAAGCTTACGAGGTTCTTAGCGACCCCCAGAAAGAAAGAAATTTATGATCAATAC  
GGTGAAGAGGGTTTAAAGGGTCAGGTGCCGCCACCTGATGCTGGTGGCCCTGGTGGAGGAGCTTCCTTCTTT  
TCCACCGGCGACCGGTCATCAACATTTAGATTCAATCCTCGAAATGCTGAAGATATTTACGCGGAATTTTTTG  
GTCTTCGAACCTTTTGGAGGAATGGGAGGGGGACCAAGGTTTTCAAGTAGCATTTTTTGGTGATGATATATT  
ACTTCTTTTAGAGAAAGTGGGGGAGGATCCATGAACCAAGCGTCTTCTCGTAAAGCTGCTCAATTGAGAATA  
GATTGCCTTGTAGCCTTGAAGATTTGTACAAAGGAACTACCAAGAAAATGAAAATATCTAGAGAAGTTTCAGA  
CACGACCGGGAAGATTGTAACAGTGGAAGAGATCTTAACAATTGATATAAAACCAGGTTGGAAGAAGGGAA  
CAAAGATCACATTTCTGAGAAAGGGAATGAGCAGCCTAATGTAATACCTGCAGATCTTGTTTTATAATTGAT  
GAGAAACCACACAGTGTGTTCACTCGTGACGGGAACGACCTAATTGTCACCCAGAAGATATCGCTAGCCGAG  
GCATTGACTGGGTACACTGTCCATCT

>trans\_c\_2229 AF180758|Vitis riparia 60S ribosomal protein L10 (QM) mRNA, complete cds

AATCTAGCACTCGAAGTTCTCCAGCGACACAGAGCCATGGGGAGAAGACCTGCTAGATGTTACCGCCAAATC  
AAGAACAAGCCTTATCCCAAATCGCGATTTTGTGCGGTGTTCCCGATCCTAAGATCAGGATTTATGATGTTGG  
AATGAAGAAGAAGGGTGTTGATGAATTCCCCTTCTGTGTTTCATCTTGAGTTGGGAGAAAGAGAATGTTTCA  
AGTGAAGCTTTGGAAGCAGCTCGTATTGCCTGTAATAAGTACATGGCGAAATTTGCTGGGAAAGATGCGTTTC  
ATTTGAGGGTTAGAGTTCATCCCTCCATGTTCTTCGAATTAACAAGATGCTTTCATGTGCTGGAGCTGATAGG  
CTCCAAACTGGGATGAGAGGTGCTTTTGGTAAGCCACAAGGAAGTTGTGCAAGAGTCGCCATTGGTCAGGTT  
CTTCTTTCTGTTGATGCAAGGACAGCAACAGCCAGCATGCTCAGGAGGCTCTCCGCCGTGCTAAGTTTAAAGTT  
CCCTGGTCGTCAAAAGATCATTGTTAGCAGGAAGTGGGGATTCACTAAATTTAGCCGAGCTGATTACCTCAAG  
TTCAAGTCAGAGAACAAGATTATGCCAGATGGTGTTAATGCTAAGCTTCTTGATGCCATGGGCCTCTTGCAA  
ACCGTCAGCCTGGAAGAGCTTTTCTACCTCAAACCGCCTAAGCTAAGCTAGTTAATTTTTGGTTTTCGAAATTAT  
GTGGAATTAATGTCGACATCATCACCATTTTCTGTTTGAACATTGTGAAATGAGCTAGTCTTTTTTTTTTGT  
TTTTTTTTTTTTTGTGTTTACTACATTTTGATATTGGAACGAACTTTGTTTCTTTCTTTTCGAGTTCTATTTA  
AGAACGATAGGTTTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCCAAAAAGAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2230 NM\_001071432|Oryza sativa Japonica Group Os10g0485500 (Os10g0485500)  
mRNA, complete cds

TCATTTGATCGATGGTTTTGTAAGAGTACGCGCGTGTTATGATATGAAGATTGAAGAACAAAGCCTTTTTTAAT  
TATTGTTGTTATTATTATTATTATTATTAGTACTTCAATTTACAGCTTCGAATTGAAAATCCAATCATTCTCTC  
CCACATTTCTTTTTGCTTTAATTGATATTCTTCATCGGAGCAACAGAGTGGTAGGTGAAGGTTTCTCTTTCTT  
TGAATCGTAAGATTAGATCCTTTCTTTCTCTCTCTCGTCTCAATTTGAAGAACGATTCGAGATAATTCGAGT  
AGATGTCCCCGTGAATAGTTCAGCCAGTGGAGTTAATGGACATGGAGGATCGAATTACATAGAGCATCAAA  
TTTCTAGAATGGATACTCTCGCTGGAATCGCCATTAAGTATGGAGTCGAGGTGGCTGACATTAGGAGATTGAA  
TGGCTTGGCAGCAGATCTTCAAATGTTTGCTTTGAAGAACTGAGAATTCCTCTACCAGGCAGACATCCACCAT  
CACCTAGCCTGTCCGATGCTTCTGCTGTTACAGGAAATGGATCTGTAAATGAGGAACCTCTACATTTAGGCCAA  
CCTACTAATATGCTAAACTCTTTGCAATCTTGGAGATTGAAATCACCAAACCAAAAAGCCTCCCCTGCCATGAG  
CACATTGCAAAAATACTATGGTCTAAGTTCACAACTCTCAAGACCTCATCAGTAGACATGGAGATGTCTGTAT  
ACAGAACTGAAAATTCAAATCCATCAGTGATGGGTTGTTTTCCAGAACCTCTGTACTCTCTACACCACCTCCA  
AACATTTACTCGAAGACCAGGAAATATGCTGGTAGTTTCTGGACCGAGAATGACTCAATAACCGAGCATCTAT  
TACGTACAGATTCTGGAGATGGAGAGAGCGAGAAATCTGATGAGAAATTAGTTCGAAGGCGTCAAAAGGCT  
GAAGTCGAC

>trans\_c\_2231 CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

TGTTCTAGAACTTACTGGCAAACTGCCAGAGCATCCGAAACAGAAGTAGGTTATATCAAATGAGACCACAG  
CGACTTAGAGTACGCCTTCCTCGTCTTTGAGCACCATGCTTCCTCTGAGGCCTTACTCCTGGGAGGAAGCAAT  
CGGATCATCTGTACTTCTGGAAGCAGGAGGAGATGACATGAAGCTCAGTGATGAAGTGTTAGTTGCCTGCAA  
AGCACTTAACTAGCTGGAAAATTTGTTGTCATCACTCAGAGTTTAAATTAATCGTTAGCTGTGCAAGCTTAG  
TGGACTTGGGCAAGCCTGAATTCGAGGCATTGCTGCTGATTCCAAATGGGTGATAGAGTCAGCTATTGGTTT  
GGAACTGTCATTCATGCTGACACCAATAAAGATGGAAGTGTCTCCACATCGTCGGAAGCAGTTCCGATTTA  
TTATCAAGGCCAAATAAATCTGTCCAGAAAAGAGTAATTGGGAGAAGTAGTACGGCAGTGAGATGGACCGGT  
CCAATCCTCTTCTATTTTTGAGACAATCCTTGAAGTCTAGAGCTCAAGGAAGATGCCGAAAACCTGTTGAAGAT  
CTTGTTATCTGCAATCGAATTAGCCAAAGACTGGGGCTGGCACCGTGGTCTCATGTTCTCCACCGATATGAT  
GTAAATAGGCCAACAGCTCCTTCATCTTCATGTCCAAATTTTTCTCTCCACACATTTTTTAGGTAGAAAATTT  
GCTTAATTTGTAGCTTTTTCTGGTTGCAGTTAGAAAGTATGTGTATATGTATAGGCGTTCACTCTCTAAAAGTG  
GAGAGCAATTTGCAACCACATTGTAAATTAATTGTTCTGTGATTACATATGTACCAATTGTTTGAATAAAGTTTT  
TTTTAAGAAAACGAAAACCTATTTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2232 AB564545|Coptis japonica bHLH2 mRNA for bHLH transcriptional factor, complete cds

AGAGAGGTACGGCGGTGGACGACCCTTTGATTTCCGATCACATGGATCCCTTAGAGGATTCTAGTTGTTGGG  
ATTTTCTCGATTGCTCCTTCTTCCCGACGCCGACAATCTTATTAACCCTCCACTCGATCCTTTGTGGCCTCCTAA  
TGATTCCAGGAAGGGTCTTTAGCGGATACTGATGTTTCAGCCGGTCGTGTGAATCTGAAGAAAATGATTGT  
TCGAGGAAGAGGACACGAGATGGGTCTGTGCGCTGGACCATCTTCAAAGCTTGTCTGAGAGGTTGCGGAG  
GGAGAAATTAATGATAGGTTTCTAGATTTGAGCATTGCTTTAGAACCTAGTAGACATACCAAACTAACAAG  
CCGGCCATACTTGATGATGCCATAAGAGTGTTGAATCAACTAAGAATGAGGCCGAAGACCTCAACAACTA  
ATGAAAAGTTGCGAGAAGGATTGGAGAACTTAAGGCAGAGAAGAATGATCTTCGGAAGAGAAAATAATT  
CTGAAGGAAGAAAAAGAAAAATGGAACAACAGTTGAAATCTATAGCCATTCATCTCCAGGGCTTATCCCTG  
GTCATCCAGCTACATATCATGCTGCTTCAGGTAAGATGGCTGTTTTCTGGTTATGGTTTGATCCCAATGTGG  
CAATATCTTCTCCATCAATGCGAGATACATCTCAAGATCATGAGCTCAGGCCCCCTGCTGCTTAGTTTATTTAA  
TTTTTCCAACCTTTTAAATAACTAGACTAGAGTCTCTCTTCTTCTTTCATCCATCCGTCCATCCATCCATTTTT

GCTTCACCAGCATGTAAATTTCTCTCAACACATTTCTGATTGTTCTTCTAAACAATTAGTTCAAAAATGGAACC  
ACGATTTGCAAGGACTACTGTTTACTCTTTTTATATATTTTCAACTCATTGTCCATTATCTACCCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_2233 M91372|Cucumis sativus peroxidase mRNA, complete cds

CTCACAAAACGAAAGCACACGATGGCTTCCTTGTTCAAAGTTGCTTTCTTTTTGTTTCTGGGGTTGATGGTTA  
GAGCTTCCAAGCTCAGCTCTGCCCCACGTTTTACGATGAATCATGCCCCGACGTATCCAACATTGTGCGGGGT  
GTGGTAAACAAGCCTTGGCCTTTGACGAACGTGCTGGTGCCAGACTCATTGACTTCATTCCACGACTGCTT  
TGTAATGGGTGTGATGGGTGCGTTTTACTAGAGGACCAACCTGGTGTAGTGAGTGAGCTTGGCGCCCCTGG  
AAACGCCAATATTACAGGGTTTAACATTGTTAATAACATCAAAGCTGCAGTTGAAAAGGCTTGTCCCGGTGTT  
GTTTCATGTGCTGACATCTTAGCCATAGCTTCCGTGGAAGCAGTTAATTTGGCAGGAGGACCGTGTTGGGAGG  
TACAACTAGGAAGAAGAGACAGTAGAAGGGCAAATTTACAAGGCGCAATAGATGGGCTTCCAAGTCCTTTTCG  
AAGATGTTACACAACTTAAACGCAAGTTCGGTAGAGTAGGTCTTGATTCTACTGATCTTGTTGCCTTATCTGGT  
GCACACACATTTGGGAAATCGAGATGTCGATTTTTCGACCGACGTTTGAACGTTTCAAATCCAGATAACACACT  
GGACGCGAGGTTTGCACAGCAGCTCCGTCGAGCTTGCAGTAGCAGCCGGGACACGTTTGTGAATCTGGATCC  
CACCCTCCCAACCAGTTCGACAAGAACTACTACACAAACCTTCAGTCCAACATCGGCCTTCTCGGCAGTGACC  
AAGTCCTTCACTCCACTCCCGGCGAGGACACCGTCGACATCGTCAACGTCTTCGCCGTCAGCCAGCAACAGTTC  
TTCGACAGCTTCGGCCAGTCCATGATCAACATGGGAAATATCCGACCGTTAACCGGTAACCAAGGAGAAATTA  
GATCCATAACGCGAAG

>trans\_c\_2234 AY513612|Capsicum annuum ring domain containing protein (Rma1H1) mRNA,  
complete cds

TCCATCATTTATCTCTCAGACTCAAACTTCCTCTTATCTCTGTTTCCCGTTCTGTCTTCTCTCCTTCTTCACTTT  
TTTCATTTCTGCATTAACATTCCCTTTTTTTTTTGTGGAAGCAATTTTCTCTATCTCTCTCTCAGGAAACATCTGC  
AGTTGCTCGACTAATCCATGGCCTTTGATCAGTACTTTGCGCAAGGATGGAAACATGTTTCTGGCACGGATCG  
AGAGAACTACAAGGGTTGTTTTGATTGTAACATTTGCTTAGACTTTGCCATGAGCCTGTGGTTACTCTCTGTG  
GCCACTTATACTGCTGGCCTTGCATCTATAAATGGCTTCACGTCCAGAGTGCCTCTCTTGCCATTGACGAGCAC  
CCGCAGTGCCCTGTCTGCAAGGCTGATATTTCCACACCACAATGGTTCCTCTTTACGGTCGTGGCCAAATGGC  
AGAGGAAGTCGAGCTTGAAGCCAAAGCAATGCATCGTGACATTAATATTCCTCCTAGACCTTCAGCTTGTGGT  
AACCAGATTCTCGTACTCCAGCACACACCAACAGCAACTTCATATCGAAATCCTTACCAGCGACCGAACCA  
TGACCCCTTCTTTTTGCCAATTATGAAGAACATTCAGCATCACCTTTGCTAAACCTTGCAAGAACATCATTGAG  
TAGTTTTACCATCCAGTGGTTGGAATGATCGGGGATTTCTGTCATGCAAGGGTCTTTGGGAACTCGGATAAC  
TTATACTCTTACCGAACTCTTACCAACTAACAGGGAGCAGTAGGAACCGACTGAGAAGACAGGAAATGCAG  
GTAGACAAGTCATTGAACAGAATCTCCATTTCTCTTCTGCTGTGTAATTCTATGCGTTCTTGCTTCTAATGA  
TATTCTATTCGTGGAAACACCCCATTTTCAAGACAAGAAGAAAGAAAGAAAGGAAGAAGAAAGAAACAAAGA  
AAAAA

>trans\_c\_2235 NM\_001071438|Oryza sativa Japonica Group Os10g0486600 (Os10g0486600)  
mRNA, complete cds

ATGTTAGTGGAACCTGTAAAGCCGTCTTTCGTACTTCGTGTTCTGTTGGGTCTCCTCTCCTTCGTTCATTTTATT  
GTGAGTTTCGTACCTCGTGTTCTGTTGGGTTTCGTTTTACAGTAGCTCCCGACGGTGTACTGCTGCACCATCCGA  
CGGGACCAACAATTCAAATCGCTTAATTCTTTCGACCCACTCTCCGATCGATCTCAATTCTTGACACCCACGATC  
TCACGGCTGCAGATCTGCAAGTTTAAACGCCTTTGAACGCAGTTCATCAAGCTCAAGCTCGTTTGGTGAGAAAT  
AGTGGAAGCTAGTTACTGAGCAAGAGATGTCGTAATTGCTGCCACATCTTCATTGAGGATGGGCTGTTGACCA

AGCAATCCTTGCAGAAGAAGAGCGTCTTGTGGTCATTGTTTTGGTCATGATTGGGATGAACTTGTATGCAG  
ATGGATGAAGTGTTGGCCTCAGTGGCAGAGACGATTAAGAACTTTGCTGTAATATACCTTGTGGATATCACAG  
AGGTTCCCGACTTCAACACAATGTACGAGCTGTATGATCCTCCACCGTTATGTTTTCTTTAGGAACAAGCAC  
ATAATGATTGATCTTGAACTGGAACAACAATAAGATAAACTGGGCACTTAAGGACAAGCAGGAGTTCATT  
GATATCATTGAAACAGTCTACCGTGGAGCAAGGAAAGGACGTGGTTTAGTCATTGCACCTAAGGACTATTCAA  
CCAAATATCGCTACTAAGATTTTCTGCTGCATCTAAAACCTCTTATTCATCTTAAATATTATGTCCTATATGACAT  
TAATAACCTCCTAAAAAAGTTATGGTTGATTCAAGCATATTAAGTTACTACCTGTTTGTGAATAAAAGTGTA  
TGAAACACAATTTTAACGTTTATTTAGAATACTGAAATGAAATCTTAATTATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_2236 X84319|S.tuberosum TYKY1 mRNA for NADH:ubiquinone oxidoreductase

AGGTGACCTCTAGCGATCACAAAGCTCAGTCGTTTCAACAGAGAGAAGTATATTTGGGAATCCCTCCCTGTGA  
GTAGCGGTGAAAAACATTGGCTTCGCCATGGCTGCGATCTTAGCTCGGAAATCCCTTCTCGCTCTTCGTGCTCG  
TCAGCTTGCTGTCTCTGGGCAAACTGCAAGGTTCTCCTTTTCATGGTCTCCAGTCAACACACTTGTACAGTA  
CCAACAAAGATGATGAAGAAAGAGAGCAGCTTGCCAAGGAGATCTCGAAGGATTGGAGTTCTATTTTGTAGC  
GTAGCATAAACACACTCTTCTCACTGAGATGGTCCGGGGTCTATCACTGACTCTTAAATACTTCTTTGAGAAA  
AAAGTCACTATCAATTATCCATTTGAGAAAGGCCCTTAAGTCCTCGTTTTCGAGGTGAGCATGCCCTCCGACG  
ATACCCTACTGGAGAAGAACGATGCATTGCATGCAAACTTTGTGAAGCTATTTGTCTGCTCAAGCAATCACA  
ATTGAGGCTGAGGAAAGGGAAGATGGTAGCCGTAGGACCACAAGGTATGACATTGATATGACCAAATGCAT  
CTACTGTGGTTTTCTGTCAAGAGGCATGCCCTGTTGACGCCATTGTTGAAGGACCAAACCTTTGAGTTTGCTACAG  
AGACTCACGAGGAGCTTCTCTATGACAAAGAAAAGTTGCTCGAGAATGGAGACCGGTGGGAGACTGAGATT  
GCCGAGAATCTTAGATCTGAAAGCCTCTATCGCTGATACATTCACGGTGCAGTCTGGATTTGACTTTTCTCAGT  
GCGTTCATAATAAGATAAACATGAGCATGTTGTTGAAATTCTTTCATATTCTTGGTACACGAGTTGAGAACACA  
AACTTGTTGCTTATTACTGCCCAAGTTTGGGATTTTTCTCAGAAATCTTTTGTTCCTCCCAATAAAAATGG  
GAATTCTGTGGGTTTC

>trans\_c\_2237 XM\_001701673|Chlamydomonas reinhardtii chlamyopsin 4 light-gated ion channel  
(COP4) mRNA, complete cds

GATTCTTTTTAATTAACCTTGATGAGGCATGAGGAACGACATCAAATGCTTCTGGCAGGTACATGAAAACTG  
TTCTACAGAAGTTTGGGTGGGATTTTTATAGAAAATCAGCTTTTTTTTTTAAGGCATCTGCATTGCATTCTTCT  
CTTCATAGCATTTACGTCATCACATTAGGAGGATGTTCTTCCATATCATTTATTATCATTTGATCTGTTTCTCCCT  
TGTTGTCTCTTGGAACATCATTGATCATTTGAATCTCGAGAGTTAACTTCGCTCTACATGTGACCGTTTAGGAC  
GTTTGCATCTCCTTAGGTATGGTTCTATTAATTGAGGGGTGATTAAGCTTTACTAGTCAGTATCTTGTGAACGG  
GAATTTCTTTGAAATTTTTATTCAATTTTTATATATGTTAATTTTTTCTTGATTACGACTGCTTGTTGGTGGG  
TCGGTTGTGACTGCTTGCCACGTTGCCTGTAAGTGACTTGTCTCAAGATGAGCAACCTCTACCCAAGTGAAGT  
GCTAGTGGGAGTTCTCTCCGTGCCACTCGATCTCCTATTTCAATGATCCTTTAGATTATCGTGTTCTGTGTTCAA  
GTTCTGCACATCTAGCAGAGACTTGTTTCGTTTCCCATCTGCGTCTTATCTCTCAAGAGAAACATAAGTGTTCC  
TGTGGGTTTGTATCGGAAGTCGTCATGCCCCGAGTTTCCCCTCGTCTTAGTATGCGGATGCTAGGTCCTTGT  
CTGCCTATACAACCATGCACGTTCTATATAATATGTAATCAAGATTTTGTAAATTTGGCTTTTGCTTTATCTTTGC  
GAATGTTTTTATAATTGCCAGGCTGGATCTTTTGATTTTTTAGACAACATTTGACTATCCGTAGCTGGAAATGCT  
AACCTCTACTTCTTGCCTCCCAATTCATGATTCCTTTTAAATCCTTATTTTTTAAAAAGAAAAAAAAA

>trans\_c\_2238 XM\_002881793|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata bZIP transcription factor family  
protein, mRNA

TTCAATTTGTTTTCTTTTCAGTTTTCTTATTCATTCTTGTGTGTTTTGTTTTCGAGGTTTTGGCTGTGCTATGGC  
ACAGTTACCACCTAAGATCCCGAATATGGCTTCTAATTGGCCTGAACCTTCCCGTCAGAAAATCCCTTCCACGG  
AACTTTTGCACCTACCACCTACACCACCGTTACTCAACAAAATAATCCTTCTTGGGTTGATGAATTCCTTG  
ATTTCTCTCCGCTAGACGTGGATCACATCGTCGGTCTGTTAGTGATTCCATCACATTTCTTGAAATGCCAATGC  
TGGAGGATGATTGTCGTGCCTCCGCTGCACCCCCACCGCCGTCCACGGCAGCCGGTGACAGGAATGAATTTG  
ATAGATTTGATGACGAGCAATTCCTGTCGATGTTTAATGACGAAATCTCCGCTGCTGTTGCACCAACTTTGTCTG  
TCCTCGAACCTTCCACGCCGTCTGATCATAACAGTATTAACGATGAGAAAGATGCGCAAAACGATGGGAAG  
GTAAATCAGAATAAAAATGAACCCGACGAAGTACAGAGCCCGCAGCATTTCGGAAAATCAAATCAATCCAATT  
CAACGGCGACGGCGGGTTCCACTGATCGGATAACAGACCCAAAAAGAGTCAAAAGAATTCTGGCAAAATCGGC  
AATCAGCACAAAGATCACGAGTGAGGAAGCTTCAATACATATCAGAACTTGAACGAAGCGTTACATCATTACA  
GGCTGAAGTATCGGTGTTGTGCGCCGAGTGGCGTTTTTGGACCATCAGAGATTGCTTCTTAACGTCGACAAC  
AGTGCTCTGAAGCAAAGAATCGCCGCCCTTGACAGGATAAGATTTTAAAGATGCTCATCAAGAGGCATTAA  
AAAGGGGAGATAGAGAGACTGAGACAAGTATATCACCAACAAAATATCAAGAAAATGGAAAATGCATCACCC  
ATCACAGCAATAA

>trans\_c\_2239 BT025763|Arabidopsis thaliana At1g10140 mRNA, complete cds

TCCCCACCTGCTCGGTCCCATCCCCAATTTCTCCAAATCAGTGTGCTTTCAATTCCCCCTTTTTCTTCTGATT  
TCGTTTCTCAAACCTGATTTATTCGATCCATCGATCAAATTCGATTCCGAGCTGATTCCCTCCCCTGTAATCAAC  
CGTTTCTGCTTCAAATCTCTTTCAGTCATTTTCATCGAACACTTTGGTGGGCTTCCGAAATGAGAACCAAAAA  
GCACAAAATCAAACAAATTCATGCGATTGTTACACTACCCATCAGAGCTCTAGGGAAAGCCAAGGATTTCT  
ATGTAAAAAGCATCATGGATTGTGCACCCAGAGTGTCTCATGGCTACCCATCTGGCCAATTGCCATCTTGCCC  
AAAAGCTACAGCTCTCGCTCTTGAGATCCAATGAAACCGACGATTTTCAGAGAGCTTGTTAAGGCCGCCTCCG  
TTAGAAGCTTGGACATTAAGATATCGATGCTGATATTCTTTATCCACAGAGGCTAAGACAATCCAAAGGATT  
GCCTAAAAGTTGCAAGTGTGGAATGGGTAGGATTGATGAGGATACTGCTTGTGAATTTGAAGAAAGCGTTGA  
AGATAAAGCTGATTTGGTTTATCCAAGAAGTAAAGCTACGCTGTGACTAATTCAAATCTGGGTTTTGATTCC  
CACTGTTCTTCAAATATTCCCAAATAATTCAAATCTTCTTTGAATAAATTGGGAAGCAAAAAGGAGGAATT  
TTCTTGAGACCTCGATCATGCTGTTCTTCTGTCCATGTAAATATTATTATAACTTTTACCATTTCACCCAA  
GTCATTTTTGACTAAGTAGCCAAAATATTGAAAATAAATTCCTCGATTCTTGTTTTGTTGGAACATTTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_2240 FJ362591|Vernicia fordii 60s ribosome protein L19 (RPL19B) mRNA, complete cds

AGGCAACTCCCTTTCTCCTTCATAAGCTTATCTTCTCCAAGTACGCGCCGGGAAGGTGCAACAAAGAAACAAT  
GGTTTCGCTCAAGCTCCAGAAGAGGCTCGCCGCCAGCGTCTCAAATGCGGGAGAGGCAAGGTCTGGCTTGA  
TCCCAATGAGGTCAACGAAATCTCCATGGCCAATTCCTGTCAAAATATAAGGAAGTTGGTGAAGGATGGTTTC  
ATCATCAGGAAGCCAACCAAGATCCACTCTCGTTCTCGAGCACGTCGCATGAAGGAGGCCAAGAGAAAGGGT  
CGCCATTCTGGATATGGTAAGCGTAGGGGTACTAGGGAGGCAAGATTGCCAACCAAGGTCTCTGGATGAGG  
AGAATGCGTGTACTTAGGAGATTACTCCGCAAATATAGAGAATCTAAGAAGATTGACAAGCACATGTATCATG  
ATATGTACATGAAAGTAAAGGGTAATGTCTTTAAGAATAAGCGTGTGCTAATGGAGAGCATCCACAAGTCAA  
AGGCCGAGAAGGCGAGAGAGAAGACATTGTCAGATCAATTTGAAGCCAAGAGGGGCTAAGAACAAAGCCAGC  
CGGGAAAGGAAAATTGCTCGGAGGGAGGAACGATTGGCACAGGGACCTGGAGAAAAACAACACCGGTGA  
CATCGGCAGCCCAACCTGCTGCTGTGTCTCAATCTACTCAGGCGTCGAAGAAATCAAAGAAGTGAGATTTTAA  
CAAAAGGAGTTTCTTAGGAAGGTTTACTTCTGATGTTTCTCTGCTCTCCATTATTCTAGAGTAGTTTTAGGAG  
GCTTTTTTGCAGCCTTTTGTCACTTTTGGACCTTGTGCTTCATATCCAAGACCAAGGGATTTTAAGCCTGGTA

ATTTTGTAGTCTATGTTTCATTGCGTTTTTTGTCAACCAAGGTTGCTTAATGGAAATTATTTGAGAGTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2241 AF410323|Arabidopsis thaliana AT4g26670/F10M23\_10 mRNA, complete cds

ATAAGCAAACGGTTAACGGAGAGTGGTGTGAGAAACCAAGCGATTGTGCTATCCGTTCAACAAAAGAAAG  
CAAAAATCTTTTGAGATTTTTGGATTGCGGAGATTGAGTTTGGAAAAAGGGTTTATTGATTAGCTGAGAGTGA  
AGAAGATAGAGAGAATCGACGACAGCCATGGCGGATTCTTCTAAGGACGTTTCATCTGATGCTGACAACCTCC  
AGACCAATTCCTCTGACAGCCCTAATTCTTCCGATGCCATTGTTCTTCCCCCCTTTCACTGGCCCTGCTCTTTG  
TCTTTTAGGTTTGCCGGTGAATCCGCTGCCGGTGCCTTCATGGGCTCCGTTTTCGGCTATGGTTCAGGATTAA  
TTAAGAAGAAGGGCTTTAAAGGATCATTTGCTGAGGCTGGATCTTGTCGAAGACATTTGCAGTTTTGTCTGG  
GGTACACAGTTTGGTGGTTTGCATGTTAAAGAGGCTGAGAGGAAAGGATGATGTTATTAATGCTGGAGTAGC  
TGGATGCTGCACTGGTTTAGCTCTAAGTTTTCCAGGTGCTCCACAAGCTCTTCTCAGAGTTGTATTCTTTTGG  
AGCATTTTCGTTTATACTAGAAGGCCCTTAATAAGCAGCAACCAGCATTGGCTCATCCCGTTTTCTCAAGAACGA  
GAAGCAACATAGAGCGGAATTGTCCCCGTTGGTTTTGCCACTTCAGTTTGCATTCCAGTTGAACTAAAAGGT  
GCGTTTTCTGCATTCTGCAAGTCCTTGGAGAAGAGTAGAAAGAGCAGCTGGTAATGTCCACAATTCTTAACAT  
CTTTTGACCAACTTCATTACTGCAATTTGTTGCCTAATGTTTGAAAGAGTTTGTGCAATTTGAGTTGGAAATG  
AATCTGTTCTGTTCTGTTCTTTTTTGGCTGGAATGTAAGTGTGAAGTTTTTGGATGGTTTATTTGGAGCAATGT  
AGCTATTTA

>trans\_c\_2242 AF108896|Capsicum annuum GTP-binding protein mRNA, complete cds

TGAAACGCGAGTGAATTTGCTAGGGTTTAAACACTTGGGTTGGGCTTCGGCAATGCCATCATAACATAAGGG  
AAACAACACAGAGCCCTCCTCTTCAGCTGCTCACTTTCTTCTCTAAATCCGGCACAGAAGTTCAGCAGCTACCC  
TATACCACCCATTTCTTTTCCACTCACTATCGCCAATGCCTCCTAAAGCTTCGAAATCCAAGGAAGCTCCAGCT  
GAACGACCTATACTTGGCCGTTTTTCTTCCCATCTCAAGATTGGAATTGTTGGATTGCCAAATGTTGGCAAATC  
TACTCTTTTCAACACACTTACAAAGCTGTCAATACCTGCTGAAAATTTCCCTTTTTGTACTATTGAACCTAATGA  
AGCCAGAGTAAATGTGCCTGATGAACGCTTTGAATGGCTCTGCAACTATACAAACCTAAAAGCGAGGTTTCG  
GCATTTCTAGAAATCCATGACATTGCTGGGCTGGTTTCGAGGAGCTCATGAAGGACAGGGGTTGGGCAATAGT  
TTCTTATCGCACATCCGTGCTGTTGATGGCATTTCATGTTTTACGTGCATTTGAGGATGCAGATATTATTCAT  
GTTGACGATACAGTGGATCCTGTTAGGGATTTAGAGGTTATCAGCGAAGAACTGCGTTTGAAGGATATTGAAT  
TTATAAAAAATAAAATTGAGGATCTTGAGAAGAGCATGAAGAGAAGCAATGACAAGCAGTTGAAGATTGAAC  
TTGAATGCTGCCAAAAGGTCAAGGCATCGCTTGAGGAAGGTAAAGATGTTGTTTTAGGTGATTGGAAAGCTG  
CTGATGTTGAGATTCTCAATACTTTTCAGTTGCTCACGGCCAAGCCTGTTGTTTACTTGGTGAACATGACGGAG  
AAAGATTACCAAAAAAAGAAGAATAAATTTCTTCAAAGATTTCATGCTTGGGTGCAAGAACATGGTGGTGAA  
ACGATTATTCCTT

>trans\_c\_2243 NM\_001073842|Oryza sativa Japonica Group Os12g0623600 (Os12g0623600)  
mRNA, complete cds

TTCTTTCATCCTCATCTCCTTCTTCTTCCCGACTTTTTCTTTCTTCGGTTTTTGTACTTGTTGCTCTCTGATTC  
TCGTTTTTCAACAAACCCCATTTCCATTTCTTCAATTTTTGATTCTCTGCTTTATAAAGACCGAACCAGATCG  
TATTTCTGCATCCTTCGATGTTTTTCGTATCTGGGTTTTTGATTTTGGGTTGAACCGTGTTAATTTTTTTTTTTT  
GTGGGAGGGGGTTTTCTTGAGTTCTCCTGAGGATGGAAACGAGAGCGGTGATCGAGGTAGTAATAGAATT  
GGGCATGTGAATAAGGTTTCAGTACGTGAGAAGGGATTTAAGAAGAGGAAATGTAGAAAGATCAAACGGCC  
ATCTATTCTGTAGTTCCTATGGCGCTTCAGGAAGTGTGTTTCTGTAGGGAAGTCTTCAAAGGCCCTGGAA  
CTGTTCCACTGCCTTGATGTTGAAAAGCTCTGCTGCATTCTTGATAATATGAAGGCAGAAGATGTTGGACTT



AGTAGTAATTTGCAGTTTTTCAAGCCCAATGTTCCAGTCAAAGGATCCCCTAGAGTCACATACACAACCATATA  
CAGATGCGACAATTTCTCGTTGTGTATCTTCTTCTCCCTGCAACTGGTGTAATCCCTCTACACAACCATCCAGG  
AATGACTGTTTTCAGTAAGCTTCTTTGGGGAAAATGCACATCAAATCTTATGATTGGGTTGATCCAACCAACA  
GTGATGATACTGCCAACCTTGTGAAAGGAGATTGGCAAAGCTGAAAGCTGATGCTGTCTTCACTTCACCTG  
CAGTACCTCTGTTTTGTACCCAACATCTGGAGGCAACATCCACTCATTCACTGCTATAACGCCATGTGCGGTGC  
TTGATGTGCTTGGACCTCCTTATTCCATGGAGGATGGGCGAGATTGGTTCTATTATAAGGAACATCCCTATGCA

>trans\_c\_2244 DQ088820|Gossypium hirsutum MnSOD mRNA, complete cds

ATTTTAGTTGGAAATTTTTCTTGCGTGTGTGGGAGATTATCCACAATGGCGCTTCGAATTCTAGGCAGGAAAA  
ACCTAATTCCTACATTTTCTGGAGGGTTAGGGTCTGGACATCTCCGCGCCTGCAGACCTTCTCCTTGCCCGAC  
CTCGCTTATGACTATGGCGCTCTTGAGCCCGTCATCAATGCGGAAATTATGCAGCTTCATCATCAGAAGCATCA  
TCAAGCCTACATCACTACAACAAGGCTCTTGAGCAACTTCACGAGGCCATCAACAAAGGCCACACCTCC  
ACCGTAGTCAAATTGCAGAGTGCCATCAAATTCAATGGCGGAGGTACATTAATCATTGATTTTTTGAATAA  
TCTGGCCCCAATTCATGAAGGGGGTGGTGAGCCTCCAAAGGGATCTTAGGATGGGCAATCGACTCCAGTT  
CGGTTCTCTGAAGCCTTGATTCAGAGAGTCAATGCAGAAGGTGCTGCTTACAGGGCTCTGGATGGGTGTG  
GCTTGCTCTGGATAAAGAACTAAAGAAGCTATCTGTTGAAACCACGGCCAATCAGGATCCACTTGTGACAAAA  
GGATCTTCTTAGTGCCTCTGCTTGGGATTGATGTTGGGAGCATGCATATTATTTGCAGTACAAAAATGTCAG  
ACCAGACTATCTGAAGAACATTTGGAAGGTTATAAATTGGAAATATGCTGGTGAGATTTTTGCAAAAGAAGCT  
CCCCTGGTTGAGAGTCGTTAAGAGTTCCTTGGGGCTCTTGTGAGTCTTCTGTAAACCTTAGTTTGTCTGGT  
GAACGTTGAATAATAACATCCTGTACGCATGGATGTTCAAGCCTTGTAATGAGATGAAATGTATATTTGTTT  
CAAGTACTCTGTTTGGGAAGATGATGAATGCATGAGGCCACGAGAGTTGCCTTTTTCCAGTTACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2245 BT030083|Arabidopsis thaliana At1g15760 gene, complete cds

GGGATCAGTGTGAGACTTAGAAACAAATTCTGTAAACCAATTCAAAGAGAAAGAAATGAGAGAAGATCAAAT  
CAAATCAGAGATGGATTGGTTCTCATGGCTTTCAAAAACATCTCTCCATCCATCTTAGTCTACGAATACGGCC  
TTGCCCTAGCCAACAACGAGCTCGAATACGAAGACATTCTCTATTTCACCATGAATTTCTCAAAGCATCGGA  
ATCTCCATAGCCAAACACCGTCTAGAGATTCTTAAGCTTGTCGTAAGGAAAACGCTCTCCACCCTCGTCCAAT  
CACTCGTATTCTCCTCGCTCTCAAGAAAACCAAACGCCGGTTCGCAAATCTCATACGAACTTCACTCATCACG  
ATGATCAATTAGAAGAATCCAAAGCCCTAGTTCTTGTTCTAAATCAAGTTACGCCGCTAAGATTCTGAAGAG  
GAACAAGACATTTAGCGTGGGGAAAACGCAGGGGAGGTTTCTTCTTACCAATGGAAGTCCGGATCATGATGT  
AAAGATTGGGCGGCGGATTCAACACTTTTCCGGTCCGATCTGTACGATGTACGGTCGTCGGCGGCGGCGGA  
GGAGGAGAAGAAGAAGGAGGGCGTTGAGGAAATCAGGTGGGATGCAATGTTTCAGAATTTGAAACCTACTT  
GAAAATAAAATTCATGGAATTTTCAACAAATTGTTGTTTTTGTTAATTTGTTAACAACTTAGGGTTAATTTG  
AATGGTGAGAGATAGGTTTTTTGTGTTCTCCACCATTAGATTGGATTCCATTTTTTGTGTTTTTGGGAAG  
TGGTGGGTCTTAGGAGAAGACAAGCTTAGGAAGAAGGGTTTGATTAGAAATGATGATGATCATTGTGTTCTT  
TTTTACTTTCCTGAAGATGAATATTTAATTGATGTCTGCCTTTTATTAGGTAAGACTTAAAGAGAGATATAATTG  
ATTTTGGTGTGTTT

>trans\_c\_2246 AY056426|Arabidopsis thaliana At1g05520/T25N20\_16 mRNA, complete cds

TGCTGCTGTGATGATTAGCCATCACTAATATCGTACTCATTCAATTCCTCCCTGCACCGGCATTGTTAGATGT  
TGTTTCCATTGCAGCTGATCGCATTCTCCTTCTAGATTCTTATTTCAAGTGTGTCATATTTGATGGAATGACAATA  
GCACAGTGGCGAAATATGGGATACCAAAATCAACCAGAACCAAGCATTGACAGTTATTGAGTGCTCCTC  
ATGATGATGCCCAAATTATTATTCATGAGCGTTTTCCAGTTCCTCGTTTGGTTGTCTGCGATCAGCATGGTTCCC

AGGCTAGATTCTTATTGGCAAAGTTGAATCCATCAGCAACATACAACAATGCTCAAGAAATAGCAGCCGGGTC  
AGATATCATATTTACAGACGACGTTAGCCTTCAAGTATTCTTTGAGCATCTTCAGAGGTTGGCTGTGCAATCTT  
GAGAATAGATGTCTATCTTGAGGCTTATAGGGAAAATCTGATCGTTCCTTGCTGTGGGAAAATTCACTGAAGGT  
TATGTATATCTGGTCTGGTGCCTTACTGACTTCTTTTCTGGTCTTTCCATCATTTTCCAAGTTGAGAAGCCAATA  
TTTCCACATTCTCTCATTTGAAGAATATATTGAGAACTGGTGAAAAAAATTCTTTGTTTTGGGGGGGGAC  
ATTCTGGGTCGACATCGCTGCTTAATAAAAAGTCACAAAGGACGTTTGAGCCTCAAGTTAGTTAATATGATTG  
ATGAGGGAAGAGGCAAAAAGGAGGGGAGGTTTATTGGGAATGTAATTTAGAGGAATCCTTCAACAGCTTAG  
ACATTTGTGAAAGTCAATTCTGTTAGGAGTTTGGTTCTTCAATTTGTTGTTTTGTATTGAGGTTATTAGACCAC  
AAGTATTTTTGATGATTCTCCAAGTAAATTATAAGGAAGGGAGCTTAGTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_2247 NM\_001074440|Oryza sativa Japonica Group Os11g0484000 (Os11g0484000)  
mRNA, complete cds

AGTCAAAGAAGTTGCAGTAGGTGGTTGCAATGGTGAAGCATCTTTGAAGCGTTGCATTGTTCTTGACATAGAA  
GGAATACTACTCCGATATCATTTGTGACCGATGTTCTTTTTCCATATGCTCGTGACAATGTCCACAAACATTTG  
TCTTAACATTTGATACTGCTGAGACTAAAGAAGATATTAAGTTGTTGATATCCCAGGTGCAAGATGATCTGG  
AAAAAGGCGTTGCTGGTGTGCTTATTCTCTTGATGATTCTGCGAAAGAGGAAGTTATTGCAGCTATAGT  
TGCGAACGTAGAAGCCATGATAAAAGCTGACAGGAAGATTCTGCTCTAAACAGTTGCAAGGTCATATATG  
GCTAACTGGATTTGAGAACAAATGAATTGAAAGGTGAAGTTTTTGAGGATGTACCGAGAGCTCTGGAAAGATG  
GCACGCCCTGGGCACAAAGGTATATATTTACTCGAGCGGTAGTAGGTTGGCACAGAGGCTTCTATTTGGAAC  
ACAAAATATGGGGATCTGAGAAAATATTTGTGAGGATATTTTGATACCGCCGTGGGGAACAAAAGAGAAACG  
CGCAGTTATGTTGAGATCAGAGAGTCTGTTGGAGTCGATAAGCCGTCGGAAATTTTGTGTTGCTACTGATGTTTT  
CCAGGAAGCCGTAGCTGCAAAAGCAGCAGGATTGGATGTGAATATATCCATTCGACCTGGAAACGCTCCTCTT  
CCAGACAATCATGGGTTCAAACAATTCAATCATTCTCAGAAATTTGAAGAGCTGGTATGTGAGTCTCTTTTTT  
CATAGTGGAATGGAATGTACAATAAAGCTTGAGAAGAGAGACTATTTTTCTCAAATAAATAACTTCAACATCTT  
TGAGTTTATATGCAAGTCCCATGTCTGCATCAATAAATAATCATCAATAGTCCTCTTTACAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2248 AY488758|Pisum sativum short-chain dehydrogenase Tic32 mRNA, complete cds;  
nuclear gene for chloroplast product

TTACAATAGAACGTGAATTTGGACACGAGTGTCATGCGCGAAAGAGGTGGCAGAATGCATGGTTCTTATTA  
ACGCAGTGATTTGCCCCGGCGGTGGTTGGTTATTAGAAGCATAAAGTTTCAGGCGAATTTGCAGATTTGGATAA  
ATCCCGATTGGGTTTTAGATTTTCATCTCTCTTAATCGAGGCAATGTGGTTATTGAGAAGAAAAGGGCCATCT  
GGATTTTCGTCTTCTTCCACTGCCGAGGAAGTTACTGATGGAATCGATGGCACTGGTCTTACCGCCATTGCTAC  
AGGAGCATCAAGCGGTATTGGCTCTGAAACTGCGCGTGTCTCGCATTACGTGGAGTCCATGTCATTATGGGC  
GTTAGGAATTTAGAACTGGTACAAATGCCAGAGAAACCATCGTGAAGGAGAATCCCTCTGCGAAAATTGAT  
GCCATGGAGTTGGATCTTAGCTCCATGGCGTCTGTAAGAAAATTTGCCTCAGATTACCAGTCGTCTGGGTTTTCC  
ACTTAACATCCTCGTTAACAATGCAGGAATAATGGCAACCCCTTTTGGACTTTCAAAGATAATATAGAGCTGC  
AATTTGCGACAAACCACGTAGGCCATTTCTTTTGACAAATCTACTTTTGAAAATATGAAGAAAATGCGCGT  
GAAAGTAAGAAAGAAGGAAGAATTGTAAATGTCTCCTCCGAAGCTCATCGTTACACATATCCTGAAGGCATCC  
GATTCGATGGAATTAATGATGAATCAAGGTATAACAAAATGCAGGCTTATGGCCAGTCAAAGTTATCTAATAT  
TCTGCATGCCAATGAACTTACCAGACGTTTCAAGGAAGAAGGATTAACTTAACCGCAAACCTCACTCCACCCG  
GGGATAATCACCACAAATCTTTCCGCCACTTTCATTATGGCAATGGTATAGTAAACACCGTTGGCAAAATCAT  
GTTTAAAGTGTTT

>trans\_c\_2249 NM\_001065147|Oryza sativa Japonica Group Os06g0724400 (Os06g0724400)  
mRNA, complete cds

ATATTTTCTTCCTTCCATCTCTGTTTTCCCTCTTCTCTTTCTCATTCTCAACTCCGTCTCCGGCTATCGTTCTC  
TCCGATCAAGTTTTCGATTTTCCTGGCTATGGAATCTCTGATCAACGTTCTTCTGCTGCGATCGTTTTCTCTTCT  
TCCTCTTTTCTATATCTTCTCCTATCAGGAACCTTCTCTTAGATCTTTCCAAGTTCCGCACGCCTCCAAAGGTA  
ACGACAATGAATCTGATTCTCAGTCTGATTCTGAACAATATCAGGAACCTTCCAATCCTCAGTAAACGGCATCTC  
TCCCTTCTCCTCTTTCCAAAGATGTCGCAATGGGAATGGTGCTTAGTGCAGCCACGGGAAGAGGGTGGACGA  
CAGGGTCTGGCATGGAAGGTCCCCCAGCTCCGGCTGGGCTGGAGGCCAAATCAGGCACAGAGAATGTATCCA  
CTTTCCCATGGTCTCTTTTCAAAAATCTCCTCGGCGAAGAATGCTTGTGGCTTTTACTTGTAACATTTGTGGGC  
AACGAACAACACGGGCGATTAAACCCCATGCTTATACTGATGGCACTGTATTTGTGCAGTGTTGTGGATGCAA  
CGCATACCACAAGCTCGTGGACAACCTGAACCTATTTCTATGAGATGAAATGCTACATCAACCCAAGTTTAACT  
ATGGGAGTAATGGATGGGGTATGTGAACCTCAAATATCTGGATGTGGAAGAAGATGGAAACGACGATATTT  
TCCAATACAATGAGGTAAATACTACGCTCAACTGCTCACTGAGTATGTACATTCTGGACTCATCAGTACAAGA  
AACAATTATTTGGTATGTATATTGTTCTATATATCAAATAGGAACCCGATTTGAACATAGAAATTGAATACATA  
GATTCTGCAGGTCGCAATCAGTAAAACAAATTTTAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_2250 AB055060|Catharanthus roseus gene for alternative oxidase, complete cds

CATGCTGTTATTTACCCCCATCGAATAAAAGTATACTGCGGTTCAAGGAGATGTTGAGTTATTCCTTGTGTAC  
CCTAAAATGGTAACCAAAGAGCTGAATGGGCGAAGTGCACAGCAGTCAGATGGCGACTTGGGGTTTCTATTT  
CAACAGAAGTCACAATAATGTGCCTTGACAGTGAAACAAACACTCGAAATTGGTTGATATCACATTGCCAAA  
TCGTTGAACAATATTTCTATGCAATGGTGGTCTCTTTAGTTGCAACTTGACCACATATCAAAACATGTTACTCACA  
AGTTCTACCATGCTCACAAAAGTAGACGATATACGCCTGTTGAGCAAGACCAGCTTCCAATTTGACTCTTTGT  
ATGCTCATTTGGAGATTTCTTGCTACTTCATTTGCTTCAGTAACCTTAGCACTATTCTTTTCTGGTATCGCGCAA  
ACCTTCTCGGAGTTGTCTCAGAGAAAGAATTGGTTTGAATGAAACATATGGCTTTCGGGTGTGATTTCTACA  
TGGATTTATTGTTTGCTTCAGTGGTCTAGAAGAGGCTAATATTATCGGTGCAGTTCTCTTGTTTTCACTTTTGAT  
TCCTTCACAAAGCCTCGAAGGAGGCTAGAGTGCACCGTTGTAGGAAAAGAATGATCATCATTGCTCTGTATCT  
CTTTAGCCATGTATTAGCATTATGAGAATTATGTTTTCTTTTCTTCTATCGTTGGCAAAAAGAGGCCACATGGCA  
TAGATATCTTTCTTTTGTCCACATGATGATCACTATTCTTTTTCCCGTTGGGTATGTGTGAAGTGATTTTAAGA  
GGTCGGCTTAAGGATGTTTCGAACTTAAATACTAATATAGTCTCCGATAAATGTCTAGATGGATATCTGTTTGG  
AAATCATGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_2251 AL161512|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 24

GGAAAATTCATGGTCTGATAAAAGCTCTAGTAACCTTGGTGTGCTTCGTTGGAATCAGAGAGGAAACCACAT  
TTAAGTTCACTTGAAAATAGAAGCTTCAATTACTCTCCGCTTCTCCACATTCTATTGAATCGCACAAGGATTTG  
CAGAAAGGGATTGCCCTCTAAAGAAAAGTGTAGCGTGTGTTACTGCATATGGCTATAACTCCCTTTCTTTAGA  
CGTTCCTTCTGAAGCTTCAACTTTTGAAGCATTTGCTAAATTATTGGTACTCTTCTTCATCAAAGGAAGTGCG  
TTCTGTTTTTTCCCTCAAAATGAATTCTTCCAGGTCCACCAAGCACATTGAGAAACCGATCAAGTCTACATGGAA  
TGCGAATTCCATCTCATCCAGCATGCTGTTGAGAGTGGACATTCACAAATAATGAAAACCAATTATGAGAGT  
AACCTTCCAAGTTCTGCTTCGAGTTATCTCTATGCCACCGAGTTCTCTGATGCTGGAAAGAATGATTCCACCATT  
GAAGGATGGGACCTCGTAGAGCATCCAACCTTTCTCCTCCACCTTCCAAGCCGAAGACATCGAGCATTGGA  
CTCGAGCAATGTTTCATTGATGCCACCAAACGGTACATGAAAGATAGCGCGAGAAAGTGAAGTAGTCGGAACCT  
GCCCAATGCGAAATTATGGAGACTTCAAAAGGTGTATATCTCTGGACATATTTAGGTTTAGGATAACTTTTATT

[illegible]

GATTGATTATGTGTTCAAAGTGGTGTGATCGGAGATTCTGCGGTGGGTAAATCTCAGATTCTTGCCCGGTTT  
GCTAGAAACGAGTTTAGCTTGGATTCTGAAGGCTACTATCGGGGTTGAGTTTCAGACTAGGACACTCGTTATTC  
AGCATAAGAGTGTTAAAGCTCAGATCTGGGATACTGCGGGCCAGGAGAGATACAGAGCAGTTACAAGTGCAT  
ATTACAGAGGGGCTCTTGGGGCAATGCTTGTATGATATCACGAAACGCCAGACCTTCGATCACATACCTCG  
GTGGCTCGAGGAGTTGCGGAGCCATGCTGACAAGAACATCGTTATCATCTTAATAGGAAACAAAAGTGATCTT  
GAAGACCAGCGTGCAGTCCCCACTGAGGATGCCAAGGAATTCGCTGAAAAAGAAGGTTTGTCTTCTTGAG  
ACCTCAGCACTGGAATCGACCAATGTGGAGAATGCCTTCATGACTGTCCTAACTGAGATCTTCAGCATCATGA  
ACAGAAAGAATTTAGCTGCTGGTGAAAATCAAGGCAACGGCAACTCTGCATCCCTCGCCGGTGTAAGAAAA  
TCATTATCCCTGGACCGGCACAAGAAATCCCGGCTAAGAGCAAGATGTGCTGTTCTTCAACATGATTTGTTTG  
GAAGTAGGGTGAAATGGGGCGATCTAGGTTGGTGCAATCCTTGATAATAGCAATTTTTTTTTTACTGTTGTG  
ATGTTTTTCTGAGG

>trans\_c\_2255 XM\_002871979|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata exostosin family protein, mRNA

AGAATCTTTGGCTAACTCCAAATCCAACATACACCATTTTCTCTTTCTTCCCCTCTAAGCATCACCCACCAAATAA  
GCAAAATCCATACTTTCTATCTTATGTGCTTATCCACCCAAAAAATGAGTATCATATAACATGATTGTTCTTCT  
AAGATGGTGGAGATTTCAAGAACCTCCAAGAAAAAAGGTTCTTGAATTTCAATATCATCAATCATAGAAAAA  
ATACACTAATTTGCTTCAAATCTTCAAATACCTTCTTCTTCTACTTGTTTTCTTCTATGTCTTCGTTCTTTTC  
TCCTAACCCATAATAATAACCCAAATCCAATCTAATTCATCATCTCTCCAATCCAACCCCTTCTTCAAAAGC  
TCTTGTTGAATCCACTTTTGATTTTCATGACAATACCAACGACTTGAAAATTTTCGTCTACGATTTGCCGCCGA  
ATTCAACGCCAATTGGCTTTCTGACGCTCGGTGCGGTGGTCATTTGTTGCTTCTGAGGTGGCCATTCATAGGG  
CTCTTTTGACGAGCCATGTAAGGACTTTGGACCTTCTGAAGCTGATTTCTTCTTGTCTGTTTATGTTTCTTG  
TAATTTTAGCTCCTTAATGGCTTTCCGGCTATTGCCATGCTCCTTCTCTTTGGCCTCTGCTGTGACGTCATC  
TCCGGCCAATTCCCGTTTTGGAACCGTAGCCGTGGCTTAGACCACGTCTTCGTTGCTTCTCATGACTATGGCGC  
TTGTTTCCATTCTTGGAAGATATGGCAATAGCAAACGGAATACCGGAATCTTGAAGAACTCAATCATTTTAC  
AGACTTTTGAGTCAAATCTAAGCACCCATGTCAAGATGTTGAGAATATTTTAATACCACCTTATATTTGACG  
GAATCCATGGAATCCGCCGTGTTGAAGGCCGCCGGAGAGATATATTCGCGTTTTTTTGGGGGAAA

>trans\_c\_2256 NM\_122220|Arabidopsis thaliana NCLPP7 (NUCLEAR-ENCODED CLP PROTEASE P7);  
serine-type endopeptidase (NCLPP7) mRNA, complete cds

AGTGCGGGAGAGAAAGAGAAGAAAGAACTCTAAAATCTGGAGATCGAATCTGAAGCTGATAAACCCCTCGA  
TTTCAATCCCAACAAATCCAACAAGTTCACCATGATTTGGAGGAGTTTAGCTTCACTTCAATGCTGCTTGCTGC  
AAAATCTACAGCTTCTGCCAGCGGAAGAACGGCGATGAGGGATTTTCGTCGCGCTTACAGCTTGGTTCCAATG  
GTCATTGAACACACATCCAGAGGAGAAAGAGCCTACGATATCTTCTCTCGTCTTCTCAAGGAGCGCATTATTTG  
CATCAATGGCCCTATTTCTGACGATACTGCCCATGTTGTGGTTGCTCAGCTTCTTCTCCTCGAGTCTGAGAATCC  
CTCGAAGCCCATCAACATGTACCTCAACTCCCCCGGTGGCGCCGTCCTGCTGGGCTTGCTATATACGATACTA  
TGCAGTATATAAGATCACCCATCAACACCATCTGTTTGGGTGAGGCTGCCTCGATGGCTTCTTCTTCTAGCC  
GCTGGTGCCAAGGGTGAGAGACGATCTTCCGAATGCAACTATCATGATTCACCAGCCTTCAGGTGGATACA  
GTGGGCAAGCAAAGGATATGACAATTCACACGAAACAGATTGTTAGGGTTTGGGATGCCCTAAATGAGCTGT  
ATTCCAAGCATACGTCACAGTCAGTAGATATTATTCAGAAGTATATGGACAGGGATTATTTTATGACCCGAGA  
AGAGGCGAAGGAGTTTGGCATAATTGACGAGGTGATTGATCAAAGGCCATTGCCCTGGTGACCGATGCAGT  
TGGAATGAAAGCAAAGATAAGAGTTAGGAAATTGAGGTAGAATCTGATGTGAAAACATGGCATTTCAGTT  
GCATAGTGAGTTTTGATAAAATTATCCAAAGTTAATCTTATCCTCCTTGGGTGCGATGGAAATAAATATTTTTT  
TGGCTAAATGACC

>trans\_c\_2257 AC069326|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T24G5 From Chromosome V, complete sequence

TTCGAAAATTCTATATATCCTGAAAGAGAGAGAGAGAAGTAAAGGAAAAAAGAGTAATTCTCTCTTTATTT  
CTTTTCCCTAACAGACACCCACCTAGCAAGTTAACTCTCTTCTGCTGTTCTGAGTTTAGACAAACATGGAAGTT  
GCTTTAGAACTTGAAGATGATTTGTTCTTTGCTGATTTGAGCAGACAGCTTTCTCTTCTCATGGATGATAAT  
GAAGACCCTCTCCCTCGTCCACATGTTTCTCTTCAGGCTCTGTCTCATGGAGTGCACTACCCGACACGGCCACT  
GGCTACACATGAACATGCCGCCGCCGCTGTTGCCGCTGCCTACAACGGTGTAAAGCAAGGGCACCGGTGTGTT  
CATCCCTAGGTCCCTGCAGCCTGCAAGAAAACAGAGGGCTGGAAGACACAATAACATAAAGCCAAACCGACA  
GTTTCATATCAGTATTGATGTGAACTCACAAGTATCTTCCAACAACCATTTGATGCGTCTAAAAAGGGATAAG  
GATTCGAAGAATTTACGGAAGGGTTATCAGAATTCTGATAATAAAAAATAAAAAATAATTCTTTCACCAAGT  
ATTAAGTTAATGGTGATAGCTGTACATGGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAA  
GCTATAGTATTAGGGTGTGTGAATTACTGGGTGTTAATTGGTTTATGTGGTTCATTGGAAGTTAATTAACCT  
AAGGTTTGTGAACCTCCTCTCCCCCTTTGTGAAAAATTAATGGTTGTTTCTTCTAATAATATCATAATTCATTA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAATTTTTTTGTGGGTGTGAGATGTAACCTTAGACAAAAGAGC  
AGTCTTGTGAAACATGCTCTGTTTGTGTTGAGATCTGAATCCAACAAGAATCATCAGACTCTGCAAAAGGC  
TGAAGATGAGTT

>trans\_c\_2258 AB049816|Nicotiana tabacum ipi2 mRNA for isopentenyl diphosphate isomerase 2, complete cds

ACTTGTTCAAATCGCCTCCGATCTCCTTCAAAGGTGAATTGCAGCTCATTTGATCCTTCAATGGTGGACTCCCC  
AATTTCCCAATGTCTCTAAGCTTTAACCTCCTCAAAGCCACTCTCTCCCTTCCCTCTCCCCTTCCATTTCTTCTC  
TTCAAATGTAGTTTCTCTTCTCCGTTTTTTCCCCTCGCCCCATCTTCTCCAGGGTCTCTCGGAGCTCCCTCTCC  
ACCAAGACCGCCATGGGTCTGCTCCTGATGCAGCCATGGATGCCGTCCAGAGACGTCTTATGTTTCGATGACG  
AATGCATTTTGGTGGATGAAAGTGATAACATTGTTGGTCATGATTCTAAATATAATTGTCACCTGATGGATAAT  
ATTGAGTTAAATAAAGCGCTCCATAGAGCTTTCAGTGTCTTCTTATTTAAACAATAAATTTGAGTTGCTTCTTCAG  
CAACGTTCTGCAACAAAGGTAACATTTCTCTTGTGTTGGACGAACACCTGCTGCAGCCATCCGTTGTACAGAGA  
ATCAGAGCTGATTGAGGACAATGCACTTGGAGTAAGGAATGCCGCACAGAGAAAGCTTTTTGATGAACTTGG  
CATTGTTGCGGAAGATGTACCGGTGATCAATTCATTCCATTGGACGCATTCTCTATAAGGCCCCATCAGATG  
GAAGATGGGGAGAGCATGAGCTTGATTACCTCCTGTTTCATAGTTCGGAATGTCAATGTGAATCCGAACCCCAA  
CGAAGTGGCAGATGTCAGATATGTGAACCAGGAACAGTTGAAAGAATTGGTGAGGAAAGCAGATGCTGGAG  
AGGATGGACTGAAGCTTTCACCATGGTTCAAACCTAGTTGTGAACAACTTCTTATTCAAGTGGTGGGACCATCTT  
TGAGAAAGGAACTATCAATGAAATTGGTGACATGAAAACCATTCACAAGCTTTACTGAAACCCGGATAGAGA  
GGCGTT

>trans\_c\_2259 NM\_001063520|Oryza sativa Japonica Group Os06g0182500 (Os06g0182500) mRNA, complete cds

AATTTTCTCAAGTTTAAACATGAACTAAACCAAGAAATTCATTGGGGATTGTTGAAAGGGAAGCATTGAA  
CAATGCCATGGAAGGGGAAATGAATGGATATCACCATTATCCGAAACTCGCGGGCTCTGCTTGTGCGGAAGA  
GCAAACCATTTCCATTGTTAGAATTTGATCTCTTTATCTCGATTAACTCAAGATATAAGACTGTTTTATTAA  
AATAATTGTTTCTGAATTGAATTGAATTGCTCTGATCATGATCATTATTGCTATTAGATTCATGAGAGGAAACA  
TATTGGGAGTCGTTCAATCCTTAAGTTACTCACACAGCAACGCAGACTTGTTTCGTAATTGTGAAGTTACGACTA  
TACTCATCCTATATGGTCTTCCAGATTGTTGACAGGATCCATTCTAGCACATGAGATGATGCATGCTTGGTTA  
AGGCTTCAAGGTTATCCAAATCTAAAACCCGAAATTGAAGAAGGTATCTGCCAAGTCCTAGCTCACATGTGGC  
TGAAATCCAAATCAATGTGGGATCTGAAACTGCCATGGCTACTGCTAGTTCATCTTCTTCCCTGCGACCTCCA

TGTTCAAACAAGGACAAGAACTGAGTGAAATAGAGAAGAACTTGGCGAATGTTTCATACGCCAAATCGAA  
CTGGATGCTTCACAAGCCTATGGAGATGGGTTTCAGGGTGGGAGAGCAGGCAGTTTCCAAGTATGGTTTGAAG  
GAAACTCTTGATCATATCAAACCTCACTCAAACATTCCCCTTTGAAAGTTGATATTGTAAGAAAAGAACTCG  
GGGATTGATTGTACGACGTTGGGAAAAAGTGAAAACATGTAATAAAATGAATAATCATGCCACTTAAAAGTTC  
TATATCTGATTAATTTTTAATCATAACCCTCTAATAATGAAGATGTGGAAATGAATTATTGGCAAANAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2260 BT005856|Arabidopsis thaliana At1g68490 gene, complete cds

TCAAACGCCTTCTCGGGCCACGAGGAGATGAGAACCTCTGTTCCCTGTCCCATTTCTGACTTCAGAGATCAACT  
TGTTTGCCCTAAACCACGTCGTCTCACCGTCAACGCCCACTCCGATACTTCCCTTCGATGGAATCTAAGTCACCA  
AGTTGAGCCAATCGACATGGCCGCCGACCGGATCTCCTTGACTTCCTCCTGACGAAGGGCGGTTGCAGCGT  
GGACCAATCGTTTACGACAGTTGGCTTCGTCGCCCCGTTTTATGTGGGTCGCCGCCGAGCAGAGTAGCCAAC  
CCTTTGATTGAGGATGCTCGATTTAGAGAAGAAAAATTCATCCCCTTTACTCCGATTGCTTCGCCGTCCGGTCA  
GTTGTGCGCGTCTACATCCTCCAGGAAAGGAGGCCGCGTAAGGGCGAGTTTTGGGAACAAACCAACGGTGAG  
GGTTGAGGGTTTTGATTGCCTTGATAGGGATAGGCAAAATTGCAGCATCCCTGCTTTCGCCTAAAATACAAAG  
ACAAAAGTCATCTTCGTTTTACAGTTTCAAGAAAAGCAAGATTCCAATACAAATAGAAGAAAAAAGATTC  
AAAAGAGATGAGTCTCTCAAGAGAAGAAAGTTACAATTACAATTTGCCTTCTTTTTGTGAATATGTTTGAAG  
TGTTCTTTGTAAATGTAAATAAAAAATTTGCCCATGTATACTAAAGCTGTGTATTTAAGGCTTTTCCCTTTTCTT  
TTCTCTTTGAGTTGAGAAGAATGCGATGAGTGTATGTCAACCTCTTGATTATACTTTTGAATTAGAAGTCTTA  
AGGTTGAGGAAATTTTCATTAGAAAGTTCAAAGTGAGAAAGATCTAATCTGTACATATTGCAAACCTGAACCTC  
GAGTCTGTTGAAGTCATCGAGATGTGAATATTGTACAATAATTGTGAATTTTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_2261 FJ771992|Vitis vinifera cultivar Cabernet Sauvignon stress induced protein (SIUP1)  
mRNA, complete cds

AAAAACAGAGGAAAACGAAAATGGAACGAAGAACCATTTCCTTCCCAATCCAAACCCTTCATTTCTTCGTTGTTT  
CGAATCTCCTTTATATCATTTTCATCTCCTTTCAATGGCTTCCACAAAACCCATAACTCAAAAAACCTCTCCAACCC  
CATAATCCCCCACTTCACTTAAAGCCTTTGTTTCTCTCCGTCCCATGGCTTCCCATCAAACCAGACCACCTTCAAC  
GCCTTATTCACCTCTAAACGACCAACAACAAGACGACCTTCAAGACATCGACGACTCCATTTCTCAATGGGT  
GTGGCTGTTTTAGCTGTTTCGGGTTTCGGATCCAATCGGAATAGGAATTACGAAGGTGCAAATCTTCTGCAACA  
GAAACAAGGGAGGGAGGAGGAGAGTTGGATGGTGAAGAAATTGAAGAAGGTGAAGGAGGTGTCGGAGAT  
GGTGGCTGGACCGAAATGGAAGAATTTATTAGAAAAATGGGTGGATATTTGAAGGGGAAGAAACAGAGGA  
ATCGGTTCCAGTATGACCCCGAAAGCTATGCTTTGAATTTGATGGGGGATTTGACGGAGAAGAAGATGATC  
ATCATCCACCTATTGGGTTTTCTCGAGGTTTGCTGTGCCTTTGGCTTCTAGGGAATAACATTGAAGCAATTAA  
TTTGATTGATTGATTGATTTTCATTGCGATTGTTAATGGAAATATTTGCAATGTTTAATTATATACAAAAAGCATT  
ACGATGTGTTATTTGATTTTGTGTGTATATATATTATTGAGAAAGTTGGAATTTTGGTAGGGATGACCTAACT  
CATTACAAACGGAATATCATTTGATCAAAATTTTGATTCTTACCTGCTAAGCTCTTCTCCAGCTCATTTATTCT  
TTTGTTCAAAACCTACTTGAGTCAAATCACATTTGCAATGTGAAATTTGGGTATTAGTTCTTCTCTTCTATT  
TTTTCT

>trans\_c\_2262 NM\_001055386|Oryza sativa Japonica Group Os03g0129900 (Os03g0129900)  
mRNA, partial cds

AAAAGGGAAGAGGACGCCGCGAAAAACAAAAGAAATGGTGTAATTTGGGAAGGAATAAGTTAACCTGGCT  
AGAGATAGGCTTAATTTTATTGATTTTTTTTTTGGTTATATTTGAAATATAAAAAAAGAGGTGACAATCACTC

GATTTTATTAATAAAATTTGCTACCGCACCAAGTCTCCTATTTGTTTCATATTTGTTTGCTTAGCAAAATTTCCGA  
GAGGACGACAGCAATTGATAATTTGATTTGAGTGAAGCTCAGCAACCGGAGTCGACAGCCGAAGAGAGAG  
CACAGCAGATCAATCATGGAATTTGAGGGCTCCTCCAAGAAGATGATAGCCACCCAGGCTGAGATGGTCGAG  
GCTAGGGTTCCAATTCCTTACAGAGATCAGTGCCTCACTTGCTGATCCCTCTTAATAAATGTCGCCAATCCGA  
GTTCTACCTCCCATGGAAATGCGAAGACGAGCGCCATTCTACGAGAAGTGTGAATATGAGCTGGTTATGGA  
GAGGATGCTTCAGATGCAAAAGATCCGTGAGGAACAGGCCAAGTTGAAGGAGGGTATTCATCTCATTCCCAA  
ACCTGCCAATGTATGACCTCATTCTTCAATTAGCTGACAGGAAGCATTAAATTGCTGAGATATGTGAAGGTTCA  
TCCTTTCCGGCAAGAGCAATGGGAAGGCATTTGATACTGTTTGGTCGATTGAAAAAACTCAATAGTTTCCGA  
GCTTTTAAATCTGGTCAGAATCCTTGATTCGGGATTTGGAATAAAGTTACCCCTTAAGCAAAGAAGTGTAAC  
TTCATCCTTTGTTTCTTTGATTAAATAACGTTTATGTGATGTGTACTATTATCCTGAATATCATTTTGCTTTGT  
GGACTTTGCCAAAATGTCTCGAATTTGGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2263 AY325818|Lycopersicon esculentum protein phosphatase 2A catalytic subunit  
(PP2Ac2) mRNA, complete cds

AACAGATGATCCCAGCTTCCCCACTTCAATCCATCTCCATCTGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCCTCGA  
TTCTCCTGACCTCAATCAAATTCATTCTTTTTCATGTTTTTCTAGTAATCCGATTCTCATAACCACGGGTTCTCTC  
TCTCTCCCCCTTCTCTCCTGCTGCGTGGAGAGATCCTTCTCTCGATCCCCACTCCCTTCTCAATCTTCGATCT  
CTAATTACGGATCTCAACTCTTCTTTTTACACCATGCCCTCTCACGCGGATCTGGACCGTCAGATCGAGCATCT  
GATGGAGTGTAAAGCCTCTTCCGAGGCCGAGGTTAAGACGCTTGTGATCAGGCTAGGACCATTTTGTTGAG  
GAATGGAACGTTGAGCCGGTCAAGTGCCCGTCACCGTTTGTGGGGATATTCACGGCCAGTTTATGATCTCG  
TTGAACTTTTTCGGATAGGAGGGAATGCTCCCGATACTAATTATCTTTCATGGGTGATTATGTTGACCGTGGA  
TACTATTCTGTGGAGACTGTTACACTTCTAGTGGCTCTAAAAGTTCGTTATAGAGATAGAATTACAATCTTGAG  
GGGAAATCATGAGAGCAGGCAGATAACTCAAGTTTATGGATTTTATGACGAGTGTTGAGAAAATATGGAAA  
TGCAATGTCTGGAAGCACTTACCGACCTCTTGATTATTTACCTCTTACAGCTCTAATTGAGAGCCAGGTTTT  
TTGTTTGCATGGAGGACTTTCACCATCTTGGATACCTTGATAACATCAGAGCTTGGACCGAATTCAAGAGG  
TTCCACATGAGGGACCGATGTGTGATCTTATGGTCTGACCCTGATGACCGCTGTGGTTGGGGAATATCTCC  
GCGTGGTGCTGGATATACTTTGGGCAGGATATTGCCACTCAATTAACCACACGAATGGGCTAACGCTGA

>trans\_c\_2264 EU591534|Ricinus communis 1-acyl-sn-glycerol-3-phosphate acyltransferase  
(LPAAT4) mRNA, complete cds

ATTCCCTGTTCCATTACATTAGATAAGAACACACCCAGTTTCAATTTTTTTCAAGAATTTAAGAGAAGACCCAA  
ACAATCTTTTCTTCCATCCCTCTCTTTTTCTTCGGTTTCTGAGCCCCATCTGTAGGAGAGGAATTCTTTGAATCGG  
TTCTTGGAAGAATGGATGTTTCTACGCCTCTGCAATCTGATAATACACAAAACATAAATCTCTTAGTCCTAGT  
AGGCTAATGAGAGGGGTGATTGTTTAGCGGTGTTTCTATCAACTGCTTTCATGTTCTTGGTGTATTTGCGCC  
TGTAATTAATCTCTCTTTGCGCCTTTTAGCTTGCAATACAGTAGGAAGGCAACTTCCATTGATTTGGTTGCTG  
GCTGGCCCTGTGGCCCTTCTCTTGAAGTGATAAATGGGACTAAAGTTGTCTTCTATGGGGATGATATACCA  
GCAATGAACGTGTTTTACTAATTGCCAACCACAGAACTGAAGTTGATTGGATGTATTTGTGGGACCTGCATT  
GCGAAAAGGGTCCTTAGGCTGCATCAAGTACATCCTTAAAGCAGCTTAATGAAGCTGCCTCTTTTTGGTTGG  
GGATTCCACATTTTGGAGTTCATTCTGTTGAAAGGAAATGGGAAATCGATGAACCGGTTATGTGCCAAAGAC  
TTTCTACGTTTAAAAATCCTCGAGATCCCTGTGGCTTGCTGTTTTCTGAGGGAACCGACTTACGGAGGCA  
AAATGCAAGAAGAGTCAAGCATATGCTGCTGAAGATGGACTTCCGGTGCTGAAACACGTTTTACTTCCTAAAA  
CAAGAGGTTTTTGTGCTTGCTTACAGACCCTACGAGGTTGCTTGATGCTGTGTATGATCTGACTATTGCCTAC



AAGGATCGATGCCCTACCTTTCTGGATAATGTCTTCGGCCTCGGTCTTCTGAAAGTCACATTCATATTCAAAG  
GAT

>trans\_c\_2265 AF516355|Hevea brasiliensis eukaryotic translation initiation factor 5A isoform VI  
(eIF-5A) mRNA, complete cds

TTCTTCGTTTTTCTCGTATATATAAATTCGCTTCTTTTCTCCAACCCGCTCCGTGCGACGTCTTACTTTTACGAAT  
CACCTCTCTTTGAACTTTTTTCCCAACAGAGCCATGTCGGACGAGGAGCACCCTTCGAGTCCAAGGCCGAC  
GCCGGAGCTTCCAAGACTTATCCCCAGCAGGCTGGAACCATCCGCAAAAATGGATACATTGTCATCAAGGGCA  
GACCTTGCAAGGTTGTTGAGGTTTCAACCTCAAAGACTGGAAAGCACGGACATGCTAAATGTCACTTTGTTGG  
CATTGACATTTTCACTGCTAAAAAGCTTGAAGATATCGTCCCCTCTTCACACAATTGTGATGTTCCACATGTCAG  
TCGTACTGACTACCAGCTCATTGATATCTCCGAGGATGGATTTATTAGCCTGCTGACAGACAGTGGTAGCACC  
AAGGATGACCTTAGGCTTCCAACCGATGATAATCTGCTGTCCAGATCAAGGATGGATTTGCCGAGGGGAAG  
GATCTGATTGTGACTGTCATGTCTTCAATGGGAGAGGAGCAAATCTGCGCTCTCAAGGACATAGGCCCAAAAT  
AGTTTCCTTGATCAATAAAAAACAGTTTGCAGCAAAGACCTTAGAACGAACAATATCCCAATCATAGTCTAT  
ATAGTCGTTTGAGAAGCGTGGTTCGTTGATGATGAAGATTAGTGGTTTCTTTTACTCTCTTGATCAGACTCTAC  
AATTAATATTTATTTTCTACTGCTATTGGTGTGTTGGATTAAGAATTGGTTTTTCTTGGCTAGTGTCTCTTCA  
GTCATCAAATCATGTAACTTTTCTAAGATAAGCTGCTTATGGTTGTTTTAAGAGTTGGTAGGAAAGAATCGTG  
GTTTCTGAGGAAGTATAATATTTTATTTACCAGTATGGGAGTCTTTTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_2266 DQ306778|Hevea brasiliensis isolate SSH49 mRNA sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCGGCAAGATCAATCGATTTTCCGGGAAAGTTTCTTTTCTATCTTCAATCGG  
AAAACGAAATGAAGAAGAGTGGAAATTAAGATCAGCATTAAATGGCGGATGATTAAACAGAAGCAGATCCGG  
AATTTTTGTTACATTTCCGGCAAATAAGAAAACAGGAATAGTTGGATTGGATTCAGATTAAGGGATAGAACA  
TAGAGAAATTAAGAAAAAAGGAACGAAGGATAGAGAAATCGACTTCGTTACCTCTCTCACGCGGCTAA  
TTACTAAACAACCTACCAAAACCTAGAGCTAGGGCTAGGGTGCCGCCGAGCAGTTCCGTTCTGTTTAGCCGC  
CTTCGATTTGGAATTATCTGTCATCATCTTCTAAACTCTTCGAAATTCACATTTCCGTCTCCATCCGAATCGACG  
GAGTTGATCATTTTTTGACAGTCTTCCTTAGAACAACTGATTCCGAGGCGATTAAGAACAAGATGGAGCTCAG  
ACTGAGAAATAAGGCCGTTACGGTCCTGATCGTAGAGGTGCAAGGCGTCACGAAGCTCCGCTGCTCCAGCCT  
CGTCGGAGGCCATCGTTTCTTACAGAAGGCGGCGAATTCTTCGATGTTGATATAACCGTCTTATCAGAGTC  
GAGATCGTCCATGACAGATCGAAGCTCTTCTAAGGGGATGGCGGATTTTAACGTTAAGGAAGTGAGGACGGC  
ATCGAGCTCGGTGATAGAGATCTTACCGTCGCCATTGCGATCGAAGCGTTCGAAAACCTTGCGGAGTTCGTGCG  
TCGTCTCGAGTAAACGGATGGCTTCTGCTTGGCGATTTGGTCGGCGTCGGATTGTGAGGTGGGAATCTGG  
TTAGGGTCAGTGGCCATTTTGGAGGTCAGAATTAGAGAGAAATCGATGGAGAGGAAAACGAAGGGGTAAA  
CTTTTGATTTTGTAAAT

>trans\_c\_2267 AL161513|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 25

ATGGTTTGACCGATTATTTACTTCCTGGCGTCGAGGAAAGTGGTTTCCGAAATCAAAATTCTAATGGCTTGGC  
GCCTTCTGGTCACCAACCTCAAATCCACTCAAACACAAACCCTAACCTAACAAACCTCCTTCGCCATTCTTCTC  
CATTCTCCACCTCCTTCCTCGTCACCAAACTGCCAAGAAATTCAGGAAGAAACGCAAGAAGCACGAAAGCCC  
TAGAACCAAGCTCGTTCAATCCGAACCCGATCGCATTTCTCACTTCGAGCGCATCCTCAAACCGATTCTTCTT  
CAGATTCTTTTTAAGTCCAAGGATTTCTTTTCCAAGCAGCCGGAGCACGTTCTTCGTCTCGATGATGCCGGCA  
AGCTTTATCGCGAACTTGGCTTTCCAAGAGGTGCGAAAGTCGCTCGATCTATTGAACGCCATCCGCTTCTTTTC  
GAACCCTATCGTCACTCCGATGGGAAAATGTGGTTTGGATTTACGGAGTTCATGGAGGAGTTAATCGAGGAA

GAGAGGGAGATTATGGACTCGATGGAGATGGATAGGGTTAGAACTGTCAGGAAGTTGCTGATGATGTCGGC  
GAATAAACGAATTCCATTGACGAAAATCTATCGTTGCAGGTCGGTGTGGGAATTCCAGAGGATTTTAGGGAT  
CGAGTGAGCAAGTATCCGGATTACTTCCGACTTGTGGTTGAAGATGATGGGAAGAGGGTGTGGGAATTGGTG  
AATTGGGAGCCTTCTTTGGCTGTAGTCAGCTCGAGAGAGAGTTTGTGGTGAACGAGGATAAGGTGAAAAGG  
ATGTTTCATGTTTCTGTGAAACATGGCAGGGATTGGATCTGGATTGGATGATACGAAGAAGCTGAATTTGT  
TGAATACACTCCCATTGGTTTCGCCATATTCAGACGGATCGAAGCTGGAGCTTTGGACATTGGAAGCAGAGAA  
GTACAGACTTGGTTG

>trans\_c\_2268 NM\_202618|Arabidopsis thaliana NADK1 (NAD KINASE 1); NAD+ kinase/ NADH  
kinase/ calmodulin binding (NADK1) mRNA, complete cds

ATTTACACCAATATGCCACATTCCTTGTCTTTTCGACCCTTGATATTTCTGAGTATGTAACGATACGTATACA  
AGTACCATTCAATAGCAGGGGGCACGCATGGGCGTCCTTCGACGGTAAAGACAGGAAGCAATTGGCTGCAG  
GGGATGCACTTGTATGCAGCATGGCACCTTGGCCAGTGCCTACAGCATGCCAGGTAGACTCAACAAATGACTT  
CTTGCGCAGCATTACGATGGCCTTCACTGGAATCTAAGAAAGACACAATCTTTCGATGGACCTCGAGATGCA  
TGACCAAATCATAGAAGCCTCTTTATATTACAACTTGTTGACAGGAAGCAGTTGATTCTCATTGGTATTTATATT  
TTTCAACATATATCTTAGTAGTTCTGCCTCAGAAATGAATAGATGTAGTAGGAGGAAAAATGAGAAAGAAAAAT  
CACTGAATAACAGTAGTTTTCTTTTATTATTTATGGTTAAGCTGAAGGCTCAAGAAAATGATTGGAGCCCATA  
TTTTAATAAGTTGTATGGTAGAATGAGTGCTGACAAATTTTTGAATAGTAAGCAATAGATGAATGTAATATTTT  
TATTTTCTTTCTCAGTTCTTAGTATGTATGGTAACTGTAATGTCTAAAAAGGCCTTGTCTAGATGAATCAAAGTG  
TTTACATGTAACAGTGTTGTCATAAGCCATAATTTCTCTCAAAGAAGTTTCGGTTTCATCCTCAAGGATGTAACC  
AATGTTGTAGCTAATGAAGTAGTTTCTTCTTCCCTCAGCTGTGATTCTCTCATTTTCTCACTCTCTTACACAT  
CTCTTGACACACTCTGATCAACTAGCTTGGACAAAAAAATTCGTAACCCCATCTATAGTCATGTCAATAA  
CGTTTCTGTTATTTATATCTAAATCTTATCATGTGAGTGATTTTATATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_2269 AY062704|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g15270; F9L1.21) mRNA,  
complete cds

CGGGAATCGAGCAGTCCCTCTTTGTGTTCTTCTCGACTCGGGCCAAACCCTAGCGATATCTCAGCCATGTCGT  
CCAAGCAAGGAGGGGAAAGCAAAGCCTCTGAAGCAACCCAAAGTTGATAAGAAGGATTACGACGAGGTTGAT  
ATGGCCAATATTCAAAAGAAGAAGGAAGAGGAAAAGGCGCTCAAGGAGCTTAGAGCAAAGGCTCAACAGAA  
GGGGACCTTTGGAGGTGCCGGGCTCAAGAAGAGTGGGAAGAAATGAGGGTTCTGACTTCCCACACAAATTCA  
TGGAGGTAGATTTACTTCACGACCTGAAATTGCAGACATTTAATGGCTTTTGAATCAGTTGATTGTCCTCGTGT  
GTTCTCTGTAAAACCCTGAAAAGAAGATGATATGTTGTTGAATGATTATATAGAAGTTGAATGCTTCTCAATAT  
CCTAACTTTCTTTAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGG  
GCCCCGCCCCCATTCCCCCAAAAGGGGGGAAAAAAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTAAACCCCCGGGG  
GGGGGAAAAACCCGGGGTTCCCCCAATTAACCCCTTGGGAACCCCCCCTTTTCCCCGGGGGGAAAAAA  
AAAAAAGCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCAAAATTTGCCCCCCCAAAAGGGGAAAGGGGGACCCCCCCCCAGC  
CCCCCAAAAACCCGGGGGGGGGGGGGTTTCCCCCAAGGGGGGCCCTTAATTTTGGGGCCCCCAACCCC  
CCTTTTTTTTTTTTTTCTTTTT

>trans\_c\_2270 NM\_124901|Arabidopsis thaliana RAN3 (RAN GTPASE 3); GTP binding / GTPase/  
protein binding (RAN3) mRNA, complete cds

GATTTCTTCATTCTCTCTCACTCACACCCATTTCCAATTCGACGCATTCCCCATGGCTTTGCCGGACCAGAAGAC  
TGTTGATTATCCTAGTTTCAAGCTCGTCATTGTTGGTGATGGTAATGCTGGAAAAACCACTTTTGTGAAAAGAC  
ATCTCACAGGGGAGTTTCAAAAAGAAATATGAACCAACCATTTGGCGTGGAAAGTGCACCCCTTGGACTTCTTCAC  
AAACTGTGAAAAAATTAGATTTTACTGCTGGGACACTGCTGGGCAGGAGAAGTTCGGTGGTTTACGGGATGG  
CTACTACATTCATGGGCAATGTGCAATCATCATGTTTGATGTTACTGCCAGATTGACATACAAAAATGTTCTTA  
CATGGCATCGTGATCTTTCAGGGTGTGTGAGAATATTCCAATTGTTCTTGTGGAAACAAGGTGGATGTAAA  
AAACAGGCAGGTTAAGGCCAAGCAAGTCACATTCCACAGGAAGAAGAACCTACAGTACTATGAAATATCTGC  
GAAGAGTAACTACAACCTTGA AAAACCATTCCTTACTTGGCCAGGAAATTAGCTGGGGATGCAACATTCAT  
TTTGTTGAGTCTCTGCCCTTGCTCCTCCAGAAGTACACATTGACTTGGCTGCCCAACAACAGCATGAAGCTGA  
GTTGGCGGCAGCTGCCAGTCAACCACTGCCAGATGACGATGACGATGCATTTGAATAGAAACGTGGCTTGAA  
CATCTGGTGATTTTCTTTATCAGATTATCTTTATTTTCTCTTTTCTCCGAGTGATCTCGGTGCTAGGATTGACA  
GGAGGGAATTTGGATTTGGTGGGGGGCTGGATTGGGTGTGGGTATTGATAGAGATTGAGTTTTGAAAC  
GTCAAGTTTTCCCGGAACAACCAGAATTTGGTGTGATGATTGGTTTTTCTCTTTGTTTGTGAGTGAGTGAG  
TTGTGTATCGA

>trans\_c\_2271 D11469|*Nicotiana sylvestris* tufA gene for chloroplast elongation factor TuA,  
complete cds

ATTGTGGCTATGGCAGAATTGGATAGAACTCCCATTTGAGGCTCTCTTTTCTTTACCATTCTACAAGATAACA  
CTACTCTTCTCACTCTCCAAAACCCCATCTTCTTCTTCTCTTAGGTTCCCTCTCTCCCTTCTCCAATGGCGGC  
CATTTCTTAGCTTCCGTTTCCACTTCTTCCAAGCTTGTTTTCCCTCACCTTCTTCTCTCCTTCTCCTTCTCCTTC  
TTCTTCTTCTCCCTTCTTCTCCCTTTTCTCAAACCTCTTCCAACCTTTCTCCTCTTCTTGAACCTTCTTCA  
ATTCGTCCTTCTCCTTCTTCTCCCTTCTGTAAACCGTCTCGTTCCTTAACAATTCGTGCCGCTCGTGGGAAAT  
TCGAGAGGAAGAAACCCCATGTCAATATTGGGACAATTGGCCATGTCGACCATGGTAAACGACTCTCACGG  
CTGCTTTAACCATGGCTTTAAGCAAAGCCCCAAAGAAATACGATGAAATTGACGCTGCCCCGGAAGAACGAGC  
TCGTGGTATTACGATTAATACAGCTACTGTTGAGTACGAGACTGAGAGTCGACATTATGCTCATGTTGATTGTC  
CTGGACATGCTGATTATGTCAAGAATATGATTACTGGTGCTGCTCAAATGGATGGAGCGATTTTGGGGGGGT  
CTGGTGCTGATGGTCCAATGCCACAGACGAAGGAGCATATTTTGTGGCTAAGCAAGTCGGTGTTCTTAATAT  
GGTGGTGTTTTTGAACAAGAAGGATCAAGTCGATGATGAGGAGCTTTTGGAGCTTGTTGGAGTTGGAGATGCG  
TGAGTTGCTTCTTCTTATGAATCCAGGTGATGATGTTCCAATTATTGCTGGTTCTGCTTTGTTAGCTTTGGA  
AGCTTTAATGGCTAACATAATATTGCTAGAGGTGAAATGAATGGGTGGATAAATTTTGAACCTAT

>trans\_c\_2272 NM\_101596|*Arabidopsis thaliana* auxin-induced-related / indole-3-acetic acid  
induced-related (AT1G17350) mRNA, complete cds

ATCTCCGACCACGTTGCCTGGTCTCGGACGGCTCCGGCTTCTCTCGACGATATTGTCGGCAGGACTTCGCTCA  
CTGCATCTATAAATTCGGCGGCTCGTCCCTGAACACGGGCGGCGCGACTTCCCTATCTTTGACGCGGCGTCA  
GTACCGGTGTGAAGTACCTCTCTGTTGTAAGGGCTTGACTGGTGTGAAAGATGTCAAAATTGCGAGCACTCT  
GGAGAGCTTCTGTAAATACAACAAAAAAGCTCTCGCTTGAATGTTGAGGATTGGATACCACCTACTGAAAA  
ATACATATTCAACTTCAATTCCAAGCAGGAAGTTAAGAAATGGCATTATATTAGATTCTGAATATGGAGGAT  
TGTCATCAGCGTCATTGGAAATCAGTGAACTGGAAATGAGCTTCGTGGAGTTTTCTCTGGAAATCTCTCCTTG  
GATATAAGTGGGAACCTAAAATGGAACATAACCCGGAGTGGGTTTTGTGGAATGCGCTCCAAAAAGTTTGAT  
GGCTATTTTGATTGGATTGCTATGATTCAATTGCAATGAAAGTTAAAGGAGATGGACGATGCTATATATCAA  
CTATTTATACAGAGAATTGGGTGAACTCACCAGGACAGGAGGAAGATAATTCTTGGCAAGCATTTTTTCTAGC  
GCCTAAAGGTGATTGGTATATTGCCAAGATTCCTCTCGATCGATATTTACCAACATGGAGAGGGAATGTAATA  
GATGCAGAGTTGGAAATGAATCCATCTCGTATTGTTGGAATGTCTTTATCGGTTAATGCGGCTGGTCGCTTTCC

TGGTGCTACATCTGGGCCTGGTGACTTTCAAGTCGAAATCGATTGGATCAAAGCCTTGAGAACTCAGTGAGTC  
AGTTTTGATTTTGTTACATATTAGAAATAAATAACTTAACTATGATCCCTTTTAAATCTCTGCTCCAATAAAAATG  
CAAATTTT

>trans\_c\_2273 AF446365|Arabidopsis thaliana At1g10950/T19D16\_13 mRNA, complete cds

ATTCTATGGGTCTCTAGCAGCCATTCCTTTTGGTACGATGGTGTGGTCTTTGTCATTTGGGCTTTCATTTCTTTT  
CCTTTGGCTCTTCTTGGTACGGTAATTGGACGTAACCTGGAGTGGTGTCTCCTAACAATCCATATCGTGTGAAGAC  
CATTCTCGTCTATCCCTGAGAAGAAATGGTACCTCACACCATCTGTTGTCTCCATGATGGGAGGATTGCTGC  
CTTTTGGCAGTATTTTCATAGAGATGTATTTTGTCTTTACATCCTTCTAGAACTACAAGGTGTACTACGTATATG  
GATTCATGCTGCTGGTTTTTCTAATTCTCATCATAGTTACTGTCTGCGTGACCATTGTGGGAACATATTTCTTGC  
TTAATGCCGAGAACTATCACTGGCAGTGGACTTCATTTTTCTCTGCTGCTTCAACTGCTGTCTATGCCTACTTCT  
ACTCAATATACTACTATTATGTGAAGACCAAGATGTCAGGCTTTTTCCAAACCAGCTTCTATTTTGGATACACTT  
TGATGTTCTGCCTTGGGTTGGGAATTCTTTCGCGAGCTGTTGGTTACCTGGGTTCCAATTTGTTTGTACGGAGG  
ATCTACAGGAACATCAAATGTGATTAGGGGTATTTTGAAGCAGAAGACCTACGCTACCTTGAAGCATTTTC  
ATAGTGGAGGCAATAACTTCGAGAAGCCCTCGACACATGGGAGGCCTAGCAGCGCAGTAATACCTGTAGAAA  
TTAAAGATTTTGAGATGGGGACATGTTCTTAGCTCTGAGATATTTTCTTTTGGTAATTGATGCGTTTTGCCCA  
AGCTGTAATTGAATATCTTGATTTAGAGTTGAGAGATTGCTTTTCGTAATGTAGAAAAGTTGACCAAATTGTT  
AGACCCGTGTCATTTTATAATATATATTTTTTTTTTGTCTTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2274 NM\_105147|Arabidopsis thaliana CP5 (CP5) mRNA, complete cds

ATTTGTATGAGAGTGTCACTACAGAAGAAAGGAACTTGCGCACCCAATGAACTACCATAGTTCCTGTTGTTG  
GGCACTCTGCCAAAGTTGTAGCAGATATAAGCATGTCGTCCCATTTTGACCGAAAATCATCATCCCAAAGAA  
ATCCCTCACAATCTCCGAGTTGCATTTTCATATACTGTTCTACTTCTATATTGTGGAGGTCCAGTCTCAGGATC  
TCTTCTCCATGCCTGATAACTCATATTTGAAGTAGAACGATCCATCATTTTAATCCACGCAGGTCCTCCATCTTTT  
TCTTCAACTAGTTTACATAAATACTCCAAATCATCTTCATTCACAACTCTCAAATCTTCTCCTTCAAGTTCTGTCTG  
AACTGGAGTCAGAATCAGAACTTGACGGCATGGAAGAAGTTTCCTTCTCATCTTTCCATCAAAGGAGCTAAG  
TATACTGCTGGGCATCTGAAAGTTCAAGGAATTGAAGCTCGGAAATGAACCCAACAACGAAAAAGAAGTCGA  
CGACGACTTGGAATCATCCGAAACTGAAGAATACATCATTTCTCTTCCCAAATTAGCCCATTTTCGGTTTCCAAG  
TCCACCCACCAAACTCCAACAATAACCGCAATCCAAAGAGGAGCAATTAAGATCATAAGCTCGCCAAACAC  
ATCAACAATTCTGGGTCTCCCCAAATCTCCGCCAAATCGAAAGCAAGGCCATAAGAATCGATCAAAAAAGA  
AAAAGAAAAAGAAAAACCTCAAATTTAATCAAACAGATAGGCGTCAAAGCACATAGATTCAAGGGTTTCAA  
GAGAGAAGAGAAAAACAGGAAAAAAAAAAGTGGGTTTTACACCAAATCGATTCCAATGATTGCAAGAAGGT  
GCAAAGAAGTATAAATAATGGAAGAATTGAAGATGAACAATTAGATTTAGATATAGTTTGTGAGAGTAA  
AAGAAGAGAT

>trans\_c\_2275 AY568722|Lycopersicon esculentum chloroplast-specific ribosomal protein mRNA,  
complete cds

TTTCCCTTATTATCCTCATCGATTCCAAGTTTTGAAGTCGACGATGGCGACTCTCACCTCTTCCATGCAGGCCAA  
TCTTCTCTCTGATCACTCCTTACCTCCTCCTCACCTTCTTCTTCTACCGTTTCTTACTTTCCCGCTCCCTTCTCTCT  
TCACTTCTCTGCGCTCAAAGTTCATGCTCTTCTTCCAATGCTTCTGCTTTCTTCAACTCTTGCAAGAACTTTGGA  
ACCATGAGACTGCATCCCGTAACCGTCATGCCTCAAACCTTTTCAGTATTCGGATGACCTGGGACGGCCACCT  
CTCCTCTGTAAATTAATTGTCCAAGGCAAAAAATTTGGAGTTGACTGAAGCAATTAAGAAGCACGTGGAAGAG  
AAGGTGGGCAAGGCAGTCCAGAAGCACAGTCACTTAGTTAGAGAAGTAGATGTCGACTTTTCAGTTAGAGGC  
GGGGAGTTTGGGAAGGGTCAAAGGATTAGAAGATGCGAGGTTACTTTATTCACAAAGAAGCATGGAGTTGT

ACGGGCAGAGGAAGATGCTGAGACCGTCTTTGCAAGCATTGATTTGGTATCCTCCATCATACAGAGGAAGTT  
GAGGAAGATTAAAGAGAAAGATTCTGACCGTGGCCGACATGTGAAAGGATTTGACAGATCAAAAGTAAGAG  
AACCTGCACCCATAGTAGTTGAAGATGAGGAAGAGGAAGTTTTTCAGGAAGATGGTGGAGAAGTTATTGACC  
AGATTGTTCTGGACAAAATACTTTGATATGCCACCTTTGACAGTTGAAGAAGCAATCGAACAACTCAAGAATAT  
TGACCATGATTTCTATGGTTTCCGGAATGAAGAACTGGTGAGATTAACATCTTATATAAAAGAAAGGATGGA  
GGATATGGACTTATTATCCCAAAGAAAATGGCACAGCTGAGAAATTAGAGCCTGTGACAGTTGAAGCAGCG  
AGAGAACCATC

>trans\_c\_2276 NM\_001059868|Oryza sativa Japonica Group Os04g0520700 (Os04g0520700)  
mRNA, complete cds

GGCGAAGAAAGAACGGGGGGGGAGAAGCGTGAACCTTATCCATTAACCATTATAAAAATGGTGGGCCAAA  
ACTCTAAATAATTTACAATTTGATTCCTTCAGAGCAGTTGAATTTCAATTCAATTCACAAAACAAGAAGA  
AGAAGAAGAAGAAGAAGATCTGAAACTCCTCAAATCATCGATCAATTTTTTTCAATGGCGTCACGGAGAGGC  
GGCTTAGGATTCGGATTCGGTTTTCACTCCAAACCTAACTACATCTATCCGGCGTCGGAGTCACTTCGCTATTC  
TGAATCTTCTACCGAAAACGGCCTCTTTGAATTCGACGAATCGGATATTTGGACCTCCGCTACTACTACTCTC  
AACTCCCCCGATGGAATCGAGAAAGATCTTCCGATCTCGAAGAACTCCCGAAGAGGAGTGGGTCTGCTGC  
CACGGCGGTGGAGAAGGCGGTGAAGGCGTCTTCGTCATTGCCAGTCAACATTCCGGATTGGTGAAGATTCT  
GCAGAAGGATCAGAACAAGCACGGGCGGAGAGCGGTGGCGGAGGAGGATTTTGATGATAGTGACGACGAG  
GATGACGACATTCGACGGGCACCGCCGCATGAGTATTTGGCGAGACGGCGAGGTGATTGTTTTCGGTTTCAT  
GAAGGGATCGGAAGAACGCTGAAGGGAAGAGATTTGAGAATGGTGAGAAATGCAATTTGGAAAAAACTG  
GGTTCGAAGATTAATTTTAGATTAATTTTAGCTAAGCCTCATATAATCAGTACCGGAAATTATACTTAGAATA  
ATGATTAGAGAATTTTGATGAAGTAAATTAATGTAATTTTCATAAATTTCTCCCTTTTCTTCTCTCTCTCTCT  
TTTTCTTCTCTTCTTTTATGATCAAAATGTGTTCTTGGTGATATCTGTATCAAAAACAGTGATTTCTTTTTGGTA  
AATTAATTTCAA

>trans\_c\_2277 XM\_002889808|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata secretory carrier membrane protein  
family protein, mRNA

ACTAAACTAAAAGACAACCTGCTCCTCTTTCTTTCTTTCTTTCTCTCTCTCTACGATTCCATTCAATTTTAC  
CGATTGAACCGTCGAACCTCTTCGGGTTTCGCCTTTGAATTGCTTACTTCCCAAGTTTTTTCTCCATTTTTCCCTG  
TTCTTCAAATCAGATCTAAGGTTTTGCGATTCCACTTCTTGCCTTCCCTTTGCTACTACTGCTTTGCCATGGCTG  
GTCGCTACGACAGAAACCCTTTCGATGAAGAAGAGGAAGTCAACCCCTTTGCTAATCCTGGAAGTGTTCCTGC  
TGCCACAAATTCCAGACTTTCACCTCTTCTCCAGAACCTGTTGATTTAATTATGGTCGTGGTGCAACTGTTGA  
TATACCACTCGATTCAAATTCTGAAGGATCAAACCTATAAGGATTTAAGAAGAAAAGAGAAGGAGCTTCAAGCT  
AAAGAGGCTGAACCTGAGAAGGCGGGAACAGGAAGTAAACGGAGGGAAGATGCTGCAATCGGGCTGGAA  
TTGTACTAGAGGAGAAAAATTGGCCACCTTTTTTCCCAATTATCCACCATGATATTGCAATGATATTCCTATTC  
ATCTGCAAAGGTTGCAGTATGTTGCGTTTACTACATTGTTGGGACTAACTCTTGCCTCCTCTGGAACATAGTA  
GCTGTTACTACGGCGTGGATTAAGGGAGAAGGAGTAAAAATTTGGTTCCTTGCTGTCATCTATTTTATTGCTG  
GGGTTCCAGGAGGGTATTTCTTGTGGTATCGCCCACTTTACAATGCATCTAGGAGTGAAAGTGCTATGAAGTT  
TGATGTTTTTTCATGTTTTATTGCTTCATATTGTTTTCTGCATCTTTGCTGCAGTAGCGCCTCCAATAGTCTTC  
AGGGGAGAATCTCTGACTGGCATCTTACCTGCAATAGATCTTATTGGTTCCTGAGTCTTGCTTGGGATATTC

>trans\_c\_2278 XM\_002890363|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F2D10.32, mRNA

GTAGTCCAACCGCCATGGCAGTGCCATGCCAACACCTTGGATTCTTGTCCTTTCATCGCTTCTTCTCTCAAA  
TTCGTTACAGTCTCTGCCCAACCAAAGAGAGAATGCAAGCCAACAAGAGTTTTCTCTGCCAATTTCAAGAAG

GTCTGCAATTTTGATCTCTTCGCTACCTTTCACTCTCGTTTCTGTATCTCCGTCAAAGGCAAGAGAAAGAAGGA  
ACAAGAGGACCATTCTCTCGAGGATTATCTCACCAGCCCAAATGGACTGAAGTACTATGATGTTGAGGAGG  
GAAAGGGCCCTGTGGCAGAGAAGGGTTCCACGGTTCAGCTTTCTATTACAGGTGCACTTTGATTGCCTCTATA  
GAGGGATTACAGCTGTGTGCGAGTCGAGAATCTAACTCTTGGCTGGAAATCGTGTTATCGCCCAGCCTTATGA  
GTTCAAAGTAGGAGCCCCGCTGGGAAGGAGCGGAAACGTGATTTTGTGGACAATCCAAATGGTCTGTTTTTC  
AGCACAGGCTGCACCTAAACCCCCACCAGCAATGTACTCCATAACTGAAGGGATGAAAGTTGGGGGAAAGCG  
AACGGTGATTGTTCCCCCTGAGGCTGGATATGGTCAAAAAGGAATGAATGAAATCCACCTGGAGCTACTTTT  
GAATTGAACATCGAGCTTTTAGAAGTAGTGCAGCCTGAAAAAGGTGGGACCTGACCTGATTCGAGAACCAGA  
TTTTTGATCCTCCACTGAACAAGAATTTGAGCATTCTTTAGGAAGGACGAGGAGGAGCACAACAGCTGGTCTT  
TGGTAGGGGGAAGTTTTCTAGGAAACCTCGAGTTCTTTATTTACTTGCCAATATTCGCAATGTAATCAAAATGT  
TAAATCATTTGTTTGGCATCTTAGCTTGACACATTACGGGCCCTCTAAATATAACAAAAGCCTCCATCTTCTTA  
GTGCCAAAAAA

>trans\_c\_2279 XM\_002873222|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FAD linked oxidase family protein,  
mRNA

CGCGATAATGTCATCAATCTAAAGGCAGTCCTTGCCAATGGTGATGTTGTCAAGACCGCATCTCGTGCTCCAA  
AGAGTGCTGCACGGTATGATTTAACCCGTCTGATGATTGGAAGCCAAGGAACCTTGGTGTAATAACTGAGAT  
CACTCTGAAACTTCAGAACTTCCACAGTATTCAGTGTTGCAATGTGTAATTTCCCTTCTATTAAAGATGCTGC  
AGATGTTGCTATTGCAACTATGTTGTCTGGTATACAGGTGTCAAGAATGGAGTCGATGGACGAGGTTCAACTG  
AGGGCTATCAATAATGCTAATGGAAAGAATTTACCTGAAACTCCGACACTAATGTTTAAATTCATACGCACAG  
AGGCATATTCACGTGAGCAACAAAAATTGTTTCAGCAGATAGTTTCTGAACACAATGGCTCAGATTTTGTCTTT  
GCTGAAGATCCAGAAGCCAAAAAAGAACTGAGGAAGATAAGGAAGGAAGCGCTATGGGCATGCTTTGCATT  
ACTACCCCATTTTGAGGCAATGATCACAGATGTATGTGTTCTCTATCTCACCTTGCGGAATTGATATCAAGTTC  
TAAACGAGAGCTAGATGCATCCTCACTCGTTTGACGGTCATTGCCATGCTGGTGATGGAACTTTTCACACG  
GTGATCCTGTTTGATCCAAAGGAAGAAGAGCAACGGANAGAAGCTGAGAACTCAACCATATGATGGTCTAT  
AAAGCATTGTCAATGGAAGGAACATGCACCGGCGAGCATGGGGTTGGTACAGGAAAAATGAAGTACCTGGA  
AAAGGAACTGGGCTTGGAGGCATTGAGGACAATGAAACGAATAAAGACGGCGTTGGGATCCAACAATATTAT  
GAATCCAGGAAAGCTCATACCTCCCATATTTGTTTCTGAACAATCCATTTTATGTATTTATATGTAAACAACT  
TCTCTTAAATAA

>trans\_c\_2280 FJ771992|Vitis vinifera cultivar Cabernet Sauvignon stress induced protein (SIUP1)  
mRNA, complete cds

TTTTAAGGAACCGTAGAGATGGTTAAGGAGCTTAGTGGAACATAAATACTTTTATGCCCGTGAAAGAGGCGA  
AGACCGAAGACATAACGTTGCACATAATCACCTTCCTTCGTTACTTTTGCCGCAACAATATTCGATATTGATATG  
TCTCTGTAGGCTCTCTGCCACTGCAATTGCTATTAGCTCTCCCTCGCTTTCTCTCTCTCACTCTCTCTCTCCCC  
TTTTCTTCTCCTTCTCCTTCTCTGTCTTTATCGCTGTAATTGATGGAATTTGAACATTCCAACATGACTCCAAGG  
ACAAAAGGCCGATCTCATCGTAGAGGCTCAACATAAACTGCGCAGCTTCATTGGAAGGCCAAAAGATTAAGCT  
TTGCCCTTTCTCATTTGCCCCCTCCTCTGTATACAAAAAGGTGAATCGTCTTTTGTGTTTTGGTTCTGACACTCC  
TGCAAACTTCAGATTGCAACTGTTCTTGTGTTGTCTGCGTCTGTGAATCCTTTATAATCTTCCTCAAATACCC  
AGAACTATCACAACTGCTCTTCATTTCAGGACATTTTGGGATTAGCTGCAGAATTTTAGAGTTTAGAGGTTG  
ACGTTGTATTAATGGGATTTGTGGAAGGCATAGAATGGATGAATACTTACAGTAGGAAGCAATTCAAGAAAC  
TGTCTGGAGGATGAGAGCTGCAATGAAGAAAGCCATCAAGAACGGAAGCAAGCAGCAGTTCAGGTTTCAGT  
ATGATCCTTGAGCTACGCTCTAAATTTTGACGATGGATTATGCAATTTGAAGCTGTGCAAGTGAAACACAT

GCAAAGTTTCAAGCTAGTTCAAATTTGAATCACTCTGCTATGTGGGGTTTTGTACTTTTGGTGAAATCTGAGT  
GAATTTTCTTGATAGGCAGATTGACTCTTGCCTGTTCATTTTCTTCTCATTCTTGATTAGAAAACATCT

>trans\_c\_2281 NM\_001052758|Oryza sativa Japonica Group Os02g0201000 (Os02g0201000)  
mRNA, complete cds

AATTGACTCTGTTTTCCACTTGGTAAGGAGCCATCCTTATTCAATGGTTTATTTATTTCAACCCTTCTAAAATAAT  
CTTCGACTGCTGGACATAATTCGAAGGCTTCTCTTTTACGGAAAACACAATCAAGAGAGGAACTTTAAGCCT  
CTCCCCACCAGGATTTAGTGCTCTTCTTCCAACAATTTTGCTTGGAGACGCGTTAATGCATTATCCAGGGATATT  
TGGCTTGTGCTTTAACAGATTATAACAGATGAGAAAAGAAGGCGTGAGGGATGCTGCTCTGCATCTGCACTA  
GGTAATGCAATGGATGGGCCGTCTAAAGGTCTGAGAGTTAAAGACAAAGAAGCAAAGAAACAATGCTTACCA  
GAAAATTTCCCTAGCTCTAGCACATGTGAAATGGACAACAGTACAGTTTGGTCCCAGAGAAGCATGGCATCAG  
CCCAATCACATGATTCTCAAAGCAATATTGGGAGCAGTACAGACTTTGTAAATTCTGGACTACTTCTTTGGAAT  
GAGACCAGGAAGCAATGGGTTGGAAATAAAATGTCCAAGAGCCAAAAGCAAGTTCAGGAACCTAAAATAAG  
CTGGAATGCTACTTACGACAGCTTACTAACAACGAACAAGCCGTTCCCTGAGGCCATACCTCTTACTGAGATG  
ATAGAGTTTCTTGTTGATGTCTGGGAGCAGGAGGGTCTATATGACTGAGCCTACAATTCAAGGGAGTCTTCAT  
ATTGTTTAAATTTGTGCAGCTTGAATTTTTTCTCTGTCTGTTCAATTACGAGCAATCGTTTCGATGCTTATAGAA  
CAAATATTAGTGTTTATGTTGAATTCAAGCTACCCATTTTGGATCTTTTTCAAGAATGGGATCATTGTGAAAATA  
ATCTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_2282 BT012600|Arabidopsis thaliana At1g55340 gene, complete cds

AAAGAGAGGAAAAGAAAGAGAAGAGAGCTTCTGTGCGTGCAACTGAACTGAAGAGCGGCCGATTTTTCTTCC  
TCTGTTTCCTTTGAATGCTAAAATCTAACTCTGACCCATTAACTTTAATGTCTCTTCTCCATTCTAGCCACTTTT  
CTCCTCTTCTTCTTTGAAAATCTTTTTGCCATTTCCATTTTCTCTCTGCTGCTTCATCGCCTCTTTTGCTACTTTG  
GATTCTTCTTCCATTGCAACTCTTGTTGATGATGATTATGAATACCGATGCAGAAGAAGCCTTTTGAGAGGG  
TTATTAGAGGGAAATTGTGTTGATGATTCACTGATTTTTGGGGGTTGGATCTTGAGAGATATGGAAAAGGAA  
GAAATAGTTCAGAAAAGTAATAAATCTGGTGAAACAGATTTTCTGTTGCAGTGGGGGAACAGGAAGAGGAT  
GAGATATATGAAAGTTAAAGAACCACAAAGAATTACTAGTAAACCCGATTGTTTGGGAAAGAAGAAAGTTTC  
ATCTAAAGGGGATCGTCGTGTTGTTACAGCTGAGAAAGCTTCATCTACTCAACAACTCATCGCCTTAACAAG  
AGCATTGCTTCACCAACTGACAACCAAGAACAACCATAACATCACCAGAAAAGGAAGATCGATACTATACGA  
CAAGAGGTTTCGATGGGTGTGGATGAAAAGGTCTCAATAGACCACCCACAGGAAACGACCGAAAAGGGTTT  
GTCTGGCCAAGGCTCTATATTTCTCTATCTAGCAAGGAAAAGGAAGAAGATTTTCATGGCCATGAAAGGGTGTA  
AACTTCCTCAAAGACCTAAGAAAAGAGCCAAATTGTTACAAAAAGCTTAGTTCTGGTGATGCCAGGTTTCATG  
GCTATCCGACTTGTGCCCAGAAAGGTATGAGGGGAGGGAAAAGAAGACTTCAAAAAAGAAGACCCAGAGGA  
TTGAAGGTCATG

>trans\_c\_2283 AJ749993|Catharanthus roseus mRNA for 40S ribosomal protein S9 (rps9 gene)

GGGGCGCTTCTTTGTTTTCGTGTTTAGGGCTTCCGATCGAGAGCGCGCGGGCAGGGCAGGGAGTGAAGCC  
GTACCTGACAACAAAACATGGTGACGTCTCCTTCTATCGTAATTATGGAAAGACTTTTAAGAAGCCTCGACGT  
CCTTATGAGAAGGAGCGTTTGGATGCGGAACTTAAGCTGTAGGTGAGTATGGGCTTCGTTGTAAAAGAGAG  
CTGTGGAGGGTTCAATATGCATTGAGCCGAATCCGTAATAATGCAAGGATGCTTTTAACCTTGATGAAAAGA  
ATCCCCGTAGGATTTTTGAGGGTGAGGCCCTTCTTAGGAGGATGAATAGGTATGGTCTTTTGGATGAGAGTCA  
AAACAAGCTCGATTATGTCTTGGCTTCTACTGTTGAGAATTTCTTGAGCGTCGTCTCCAACTCTTGTTTCAA  
GTCTGGAATGGCTAAATCTATTCACCATGCTAGAGTGCTCATCAGACAAAAGCATATAAGGGTTGGGAGGCA

AGTGGTTAACATCCCTTCTTTCATGGTGAGAGTTGATTACAAAAAGCACATAGACTTCTCTCTTACCAGTCCATT  
CGGAGGTGGACGCCCCGGAAGGGTGAAGAGAAAGAACCAGAAGGCAGCTGCCAAGAAGGCTGCTGGTGGGA  
GATGGAGATGAAGAAGACGAGGATTGAGTTACTGACACTAGAACTCATCATTTGAGATGGTAAAGATTAGC  
CAAGGGTCTCAAGTAACTGAGATTAACCTCAACAACCTATTTCTGCAGCTAGACCTTTTCTCTATTGCATTGA  
TGAGAATGTTACATCTCTTAGAAGTTTTGCGTTAATTTTCTTTTTTCATTTAGAGCTGTTTTTTCCGGTGGTGG  
AACTAGCTTTTATTTTTGGACAAGCGTCTGTTTGAACTTAGTCCCATAGTTTTGTTGCCATGATTGGACTTCG  
TACTCAA

>trans\_c\_2284 NM\_125839|Arabidopsis thaliana octicosapeptide/Phox/Bem1p (PB1) domain-  
containing protein (AT5G64430) mRNA, complete cds

GGATCTTGATGCCTTGATTTTCGGTTACCAACGATGATGATCTCGAGCATATGATGCACGAGTACGATCGTCTTT  
ATCGTGCTCCTGGAAGACCCGCTAGGATGCGCCTTTTTTGTTCGGCTAATCAGAGCCCTAGCTTTGGGTCT  
GATGGAGGTAGGTCGGATCGGGATCGATTTGTGGAGGTTTTGACTTCTGCTTCTGCTCATCTGGTGATGCGC  
CTAAACAATCTGTTCCCAATAAGGTGGATTTTCTGTTTGGTTTGGATAAACTGGAATCGCGCCTCCTCTCCA  
CCGCCTGTGGCGATTAACTGCACGATCCGTTACCTGAGCCTGTTGCTCAGCCGATCGAGCCTGTTGCTAGAC  
CTTCCCGGGAGATCGGATCGCTATATCGGATCCTGTGGTTATCCTGGTGAGATTCATCGTCAATTGCAGGA  
GTTACAGAGGTTGCATATTAGCGAACAGGAGCAAGCTGCGGCGTATCAGAGAAAATCTGAAGAGAATAATCT  
TATTGGAGGCTACGGCGGTGAGTACTACACGCAAAGCCGATGGAGAAGACTCCACAGCCAAACGCGCCGCC  
ATCGTTGCAACCACCGGTGTTACTGGCAGGAGAAGCAGGTTTCCAGCGGAGGTTTTCCGGCGACGATGAC  
TGCCACACCTGGTGGACCGGACCAACCGCCGTTTACATGATCCATCATCCCGGTGCTGTCTATCACTCGCCTC  
AACATCCGATGGTGAGACCGGTAACCCCGCCGCTAATCAAGGCTACTACGCAGTACAACGTATGGCCTCAGA  
TGTGTACCGTGAACAACCGGTCTACAATGTTGTACAACCTCCACAACAGCCGATCCAGCCACTTCATCTCCAG  
GTCTGCCTCAACAACCTCCAAAGGTCACCGCCTATCCCGGCGGCGGTATGACTCTAGCAGCATATCAAGGCC  
ACCACTTACA

>trans\_c\_2285 AF404403|Glycine max acyl-CoA oxidase (ACX1;1) mRNA, complete cds

ATGTGACTCAGAGACTGGCTGCCAACGATTTCTCAACCTTGCTGAGGCTCATGCATGCACTGCAGGGTTGAA  
GTCAATCACAACGGCTGCAACTGCTGATGGGATCGAGGAGTGCAGGAAGTTATGCGGTGGCCACGGCTATCT  
CTGTAGCAGTGGGCTTCTGAGTTGTTTGCTGTTTACGTCCCTGCCTGTACATATGAAGGAGACAATGTTGTGC  
TACTTTTACAGGTTGCACGATTTCTTGTAAGACCGTATCCAGTTGGTGTCTGGGAAGAAGCCGTCGGTAC  
AACAGCTTACATGGGACCACTTCAACGTCTGATGGAATCCACTTGCAAAGTTCAGAAAGCTGAGGACTGGTTA  
AATCCAAGCATCGTTCTCGAGGCTTTCGAAGTACGGTCAGCTAGGATGTCTGTTGAATGTGCCAAGAGACTTA  
GCCAGTTTACCAATCAAGAAGAAGGTTTTATGAACCTTCTCCTAGTTTAGTTGAGGCTGCAGTTGCACATTGC  
CAACTAATTATTGTCTCCAAATTCATTGAGAACTTCAAGGAGACATACCTGGAAATGGAGTAAAGAGCAAC  
TGCAGAACTTTGTAGCATTTATGCTTTGTATACTCTACACAAACACTTGGGTGATTTTCTTCCACTTCCACCA  
TCACTCCCAAACAGGCTTCACTTGCTGATGATCAACTTAGATCTCTATATGCCAGGTTGACCAAATGCAGTT  
GCTCTTGTTGATGCGTTTAACTACACCGACCATACCTTGGCTCAATTCTTGGCCGGTATGATGGGAATGTTTA  
CCCGAACTCTACGATGAAGCATGGAAGGATCCCATGAACGACACGGCTGTGCCTGATGCCTACCATGAATAT  
ATCAGACCATTGCTTAAGCACCAGCTCAAAAATTCAAGGCTATGAAGAATATCGTATGGTGTAAACAAAATGTT  
ATGCTCTT

>trans\_c\_2286 XM\_002879029|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kelch repeat-containing  
serine/threonine phosphoesterase family protein, mRNA



ATGTGTTATGGATGGTTTTGAACGTTTTGCTCAAGGGCATTGATTACACTTTTCTCGGCCACAAATTACTGCG  
GCACTGCAAATAATGCTGGAGCTATTTTAGTTCTTGGTCGAGATCTTGTTGTTGTTCCAAAGCTAATTCACCCTT  
TACCACCTGCAATGACTTCCCCAGAGGCATCTCCAGAACGTCATTTAGAAGACACGTGGATGCAGGAGCTGAA  
TGCCAATAGACCTCCAACGCCAACTAGAGGCCGTCTCAAGTAACCAACGACCGGGGTTCCTTGCATGGATA  
TAGCACATTGCTTGACACGTCACTTAGTTTATATCAAGTCTAGCCTCATGCTACTACCAATATGGCAGTTCTGGT  
GTAATGTATAGAACACACGCCCCCCTTTGCCGAGTACCAGAACTTTGTGATAGTTGTTCTAATGGATATACGA  
AGGCTGGAATCCAATATTCACACACCTTCAATAAGCCACCAAAAGGATTGTATAGATTCAAGAATCAGGTTG  
TTGGTGGCAGTGATGTTTAAAATGTTTGATGCGCGCTACAACATAAGATGTCGGGTGACCTTGTATCATCC  
AATATCGGGTCACAAGCACAGGTGGTAGATGGTCTTTGTTGTTATTATTATTATTATTATTATTTATTTTGGTC  
CTATAGGTATTTACCATTTTCCAATGGTAGTTTACAATTTTGTCTTTGGTGTCTATTATTTTCCCATTTTAG  
TGGACTTGCATATGATGGTGGGGTGTGATTGGTAGTGAAAGTAAACGCTTATTTGTATCATAGAGGTTG  
TTGCTTTGTTTCTTTGTACAATGTAATTGTGTGGAGAAAGAAACATACTTTTCAACTTTGTCATGTCAAGAGA  
GTTACCAAGTTTGTAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_2287 DQ191669|Solanum tuberosum ribosomal protein S6-like protein mRNA, complete cds

ACAACCTTGAAGATGAAGTTTAATATCGCCAATCCGACTACTGGATGCCAGAAGAAGCTCGAAATCGACGATG  
ATCAGAAACTCCGTGCTTTTTTTGACAAGAGGATCTCCAGGAGGTCACTGGAGATTCCCTCGGAGAGGAATT  
CAAGGGCTATGTTTTTAAGATTATGGGAGGTTGTGACAAGCAGGGTTTCCAATGAAACAGGGAGTTTTGACC  
CCTGGTCGTGTCGTCTTGCTACACAGAGGAACCCCTGTTTTCGCGGTTATGGTAGGCGCAATGGAGAAC  
GCAGAAGGAAGTCTGTGCGTGGATGCATTGTGAGCCCTGACCTTTCTGTTCTGAATCTGGTTATTGTGAAGAA  
GGGAGATAATGATCTTCCTGGCTTGACAGACACTGAGAAACCAAGAATGAGGGGTCCAAGAGGGCTCCAA  
GATTCGCAAACCTTTCAATTTGTCAAAGGAGGACGATGTTGCAAAGTATGTTAACACATACCGTAGATCATTCA  
CCACAAAATCTGGCAAAAAGGTTAGCAAAGCTCCCAAGATTGAGAGGTTGGTTACTCCACTGACCCTGCAGAG  
GAAGCGAGGAAGAATTGCTGAGAAAAAGAGAATTGCGAAGGCCAAGTCTGAGGCTGCCGAGTATCAGA  
AGCTCCTGGCCTCTAGGTTGAAGGAGCAAAGAGAACGTCGCAGCGAGAGTTTAGCAAAGAAGAGATCCAGA  
CTCTCTGCTGCTTCAAAGCCATCCATTGCTGCTGCTTAGTTTTGCTTGCAATTGTTGGTGTGAGTGTCTATTATCT  
ATATATTTGCCATTTTTTTTCTTTCAAGAGTGAATATTTTGC GGCCGCTTAATATGAGATCTGGAACGTTTTGGT  
AGTTTTGATGTTTGTAGTCCACATTTTCTTCTCCCTTTGTTTATGGATTCATGCATACTGTAAATTGTTGTTTCT  
CACCATAA

>trans\_c\_2288 XM\_002876219|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata sugar isomerase domain-containing protein, mRNA

ATCTCCGACCAAATATGAACTAATCAAAACCCATTTCTGTTTCTCTCTTTCCATTTGATTTCTCAATCCCTTCCT  
CTAATGGGGTCTCTCCCTTTATCTTCAGACACTTCCCTTCTCTCTCACCATTTCTCAAAAATCCCCAAATCCGG  
TTCCAAATCAGACCTCCATCAACGAATCTACACTCTCAATCTCTTCAAATCACAACAAAATCACCTCAATTTCTT  
CTTCCACAATCTAGACCTCTCCAGACACTCAAATTCACCGTTACCCTTCTCAATTCCTGGAACCATCTTCTTC  
TCCGGCGTCGGCAAGTCCGGTTTCGTCGCTCGCAAGATCTCACAACCCCTAGTTTCCCTTGGCATTGCTCTGC  
ATTTCTTTCCCTCTCGATGCGCTTCATGGGGATATTGGCATTGTTGAATTCTGGCGACGTTCTTGTGATGTTTAG  
CAAATCTGGTAACACGGAAGAGCTTCTTCGTCTTGTCTTGTGCTAGGGCTAAGGGTGCCTTCTCATCGCTG  
TGACCTCTGTTGAAGGCAATGTGCTTGGTGGGGTTTGTGATATGAATGTGCATTTGCCTCTTGAGCGTGAGTT  
GTGCCCTTTTGAATTTGGCCCCAGTTACCTCTACTGCGATTGAGATGGTTTTTGGAGATACTGTGGCTATCGCGC  
TTATGGGTGCGAGGAATTTGACAAAAGAGGAATATGCTACCAATCATCCAGCTGGGAGGATCGGCAAGAGCC

TCATTTTCAAGGTAAAGGATGTGATGAAGAAGCAGAATGAGCTTCTGTCTGCAAAGAAGGAGACCTAATAA  
TGGATCAATTGGTTGAGCTTACAAGCAAAGGATGTGGATGCCTACTTGTTCATAGATGACGAGTATCGCTTGAT  
TGGGACATTTACAGATGGTGATTTGAGGCGCACTCTCAAAGCTAGTGGTGAAGCCCATCTTCAGCTCACT

>trans\_c\_2289 FJ600365|Gossypium hirsutum dirigent-like protein 2 (DL2) mRNA, complete cds

AAGGTAAATCTAAATTTTATTATATATCTACGAACTTGTTTGCCTTCTATTATATTTCTAATCTTCTAGAGACGA  
AACCCAAAAACCCAAATTAATGTAAGAAAAAAGAGGGAAGATTGTGATAGAGGCTATATATAAAGACAAGGA  
CAATAGATAACAATCAAAAGCACAACTTGCTTTATCTTGTTGAGATTTTGAGAAGAGCTCGAGCTCTCTTGAAG  
AAAAAAAATGACACCTTCAATCTCAGCCACCCATTTCTCTTCTCTTGCTTATCCTCTCTTCCATAGCTTAT  
TCACAACAAGATGAAGCTTTCTCGTTAAAAAATCCATGGATAAGAAGCTTCTAGGCCTTGAAACAGAGCAAC  
TAAGCCATTTGCGACTATATTGGCACGACGTTTTAAGTGGCGAAAAATCCGACTTCAATAGAAATCGTACCCCCA  
ATTTGAGACAAATTCATTTGAGGATTCGGATACATTAGAATGATCGACAATGCGTTGACAGAGGAACAAGATC  
GAAGTTCGAACTATTGGGAAGAGCTCAAGGATTGTATGCATCAGCTTACAAGACAAAGTTGCATTGTTAAT  
GGCTATGAATTTTGTGTTTACAAGTGGGAAATACAATGGAAGCTCCATTTTCGTTATATGGAAGGAATCCATGG  
TTGGAGAACGTTAGAGAGTTGTCAGTAATTGGAGGAAGTGGACTGTTTAGGTTTGCAAGAGGGTATGCTACA  
CTTCATACTGTTGAGATTGATATTGCTAAAGGGAATGCTGTTGTTGAGTACAACATTTACATATTCCATTATGC  
AGATTCCATCGCGTTGTTTTAAGTTCTGCTTGGATTCATCTACTAAGCGATTATAAATAAATTTCTTTTCCATCT  
AAGAGCGCTTTTTTTAGTCACAATCCGAATATATGTATCTTTAAATAGTTTATGGAAGAAATGTATATCATT  
T

>trans\_c\_2290 NM\_001189300|Oryza sativa Japonica Group Os10g0500000 (Os10g0500000)  
mRNA, complete cds

CTTATTACAAAACCCACACACACACTCTCTTCTAGAGAGAGAGAGAGAGAAAAGAAAAAGAGAGAGAAGGCG  
GAACTCGCACGCTGCCTACCCACTTCTAGAGAGAGACAGACGGGCTCTTTTCTTCTTCCACAGCGAATTAGG  
GTTTTTTTCTCCCTTTTTCTGGAGTTGAATTTTCGTGGAATTGGTTGTGTTTTGCTTCTTTCTTCCCTTCGGGT  
GGAGATGTATGTTTCTCCATGAGAAAGTCGTTCAAGGACTCTCTCAAAGTGCTTGAAGCTGATATTCAGCAT  
GCTAATACTCTGGCATCAGAGTTCCCGGGGAATACGATGGCCCCTGCCTTCAGATGAGAATGTCATACAGTC  
CTGCCGCTCACTTGTTCTCTTCTAGTGCAATGGACAGACTGCCATCTTGCAGGAGCGCTTGGACTGCTGAGG  
ATTTTGATTTACAAGGTCTACGTGGATGGTACAACCACCATGTCTACCCACGAGAGAAAAGCAAGCATTAGGG  
AATTCTATGCTGTTATTTACCCCTCTCTATTACAACCTTCAGAGAGGTGTTACTGATACTGAAGATAAAAAGCAA  
AAAGCTGTCTGCATGGAAAGGTACCGAAGAAGAGACGACGATGAATGTATACAGCGTTTCAGATGCTGACATT  
GAACGGGAAGAAGAATGTGGAATATGCATGGAGACAACCTAGCAAGGTTGTATTGCCCAACTGCAATCATGCC  
TTGTGCTTGAAATGTTACCGTGAATGGCGAACACGTTCTCAGTCATGCCCGTTCTGTCTGTGACAGTCTTAAGAG  
AGTAAATTCTGGTGATCTCTGGGTATTTACTGATAACAGGGACATTGTGGACATGGCAACGGTGACTCGAGA  
GAATCTGAAAAAGCTTTTCAAGTACATAGATAAATTGCCTACTATTGGTCCAGACTCCCTTTTCGACGCCTATG  
ATACCACCT

>trans\_c\_2291 AY850141|Glycine max senescence-inducible chloroplast stay-green protein 1  
(SGR1) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GAACCTCCATTTCTCACATCCGTGATACACGACAATGGGTTTCGTTCTGATTCTGAAAGATGAAGCTGAAGAA  
GAAGACCCGTAAGTTGTTATGCGTCTTCCATGGCCTTTCATTGTGTTTCGTTACTCTTTTTACCGTTGCCAGGCA  
AACCCAACCTTCAAATTAGTTCAAAGGAACAACCCTGCTCTTCTCTTTTCTTATTCTCTACCACTCGGGCTTCTTA  
CAACACTCTCGTCTCTGAGGCTGTTAGGATATTGGTTCCTCCAGCAAGATTTGAAGCTTCCAAGTTAAAAGTTG  
TGTTCAGTAGAGAAGTGACAAAGTCTGCAGGAATTATCCCGAGAACATATATTCTATCACATTGTGACTTTACT

GCTAATCTCACCTTAACCATCTCTGACGTTATCAACCTTGATCAGTTGAGAGGGTGGTATAACAAGGACGATGT  
GGTTGCTGAGTGGAAGAAAGTAAAGGATGAAATGTATCTTCATGTGCATTGCTATGTGAGCGGTCCGAGTTCT  
TTGCTCGACGTTGCTGCAGAGTTTAGATACCACATATTCTCCAAAGAATTGCCTCTTGTGCTTGAATCTGTTCTG  
TATGGAGATTCAATTCTGTTTGGGGAGAACCCTGAGCTCCTAGATTCTTGGTCAGAGTATATTTTCATTCTAG  
TTCACCAAATAACAATCGACTCGAATGCTGGGGGCCACTCAAGGATGCTGTACTGGGGAGGCATCATCATATT  
CAAGGACTCCTGAACGGAAGTAAGGATGTGTCCTCTACTAAAAAGTTGAGAAGCCCCAAATCAATCTTTCAAG  
CTCTCTTTGCTTCTTCTGTGAAGTGCATTGCATAAACTGGTAAATTGTTATAATGTTAATCTTTCAGAAATAG  
CTATCTTTTAAAAGTTTAAAACCTCCATTTAATGCAATCTTTTGTGGATGAGCAAGGGTACTCTTGTTTTGT

>trans\_c\_2292 AB265594|Lotus japonicus R6 mRNA for pinorexinol-lariciresinol reductase  
homolog, complete cds

AAGGTGAGAATTAAGAGAATAGAAAGAGAGGAAAAAAATGAGAGTTCTTGTAGTTGGAGGAACAGGCTA  
CTTAGGGAAGAGGATTGTCAAGGCAAGCCTTTTGAAGGGCATGAGACTTATGTAGTTCAAAGGCCAGAGAT  
TGGACTTGACATTGAGAAGCTTCAATTGCTCCTTCTTAAAGAGACAAGGGGCCATCCTCGTTCCGGCTTCTT  
TCTCCGATATCCAGAGCCTCGTTGATGCCGTGAAGCGTGTAGATGTCGTCATCTCCGCCCTGTCCGGTGTTTCA  
TTTAGAAGCCATAGCATTCTCCTTCAACTCAAACCTGTTGAAGCCATTCAAGCTGCAGGGAATATCAAGAGATT  
CTTGCCATCAGAATATGGAATAGATCCATCAAGAATGGGAAATGCAATTGAACAAGGAAGAGACACATTTGA  
TCAAAAAATGGTAATAAGAAAAGCAATTGAAGAAGCAAATATTCCATTTACTTATGTGTCAGCCAACCTGTTTTG  
CTGGTTACTTTGCTGCTAACCTCTCTCAAATGGAGACTCTTGTTCTCCAACCCATCAAGTTACAGTTTATGGTG  
ATGGAAATGTTAAAGTTATATACGCGGACGAAGATGACATTGCAAGGTACGTTGTGAAGGCAGCAACTGATC  
CTAGAACATTGAATAAAACAGTGTATATTAGGCCTCCACAAAACATTCTCTCCAAAGAGAACTCATACAGATT  
TGGGAAAAGCTTTTCTGGAAAAGTATTGGAAAAGATAAGTGTCTGCTCAAGAATTTCTTGCTAATATAAAA  
GATCTGGACAAAGCACAGCAGGCTGGAGCGGGACATTTTTATGAAATATTCTTTAAAGGTTGTTTGACAAATT  
TTGAAATAGGAGAAGGAGCTGAAGAAGCTTCAAAGCTTTTTCCGGAAGTGAATTACACTACCATGGATGATTA  
TCTCCAGATC

>trans\_c\_2293 XM\_002882439|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidyl-prolyl cis-trans isomerase  
cyclophilin-type family protein, mRNA

AAGAAAGTAGAAAATAAGAAAAAAGAAATTAAAAAATTCAAACGAAAACCTCGAACTCAATATTCTTCTGTT  
TCGAACAAAAGGGCCACCGAATTCAGAAAAAAGAAAGAAATCCCTTCCAAGTCCAGATTTATTACAT  
CTACAGAGAAATTCTCGGCGCTTGAGAAATTTCCGTGGAACCTTCTGTAGCTTGAACTGAGAGTTTCGATATT  
ATGGCAAAGATGAAGCCGCAAGCTTTGCTTCAACAAAGCAAAAAGAAGAAAGGGCCTTCGCGGATTAGTCTT  
ACAACAATTCTCACGTGCAGCTTGATTGTTGCTTTGTTTGTGTTTTCTGCATACCTCATACAGACATTGGTCT  
CATAGGTCAAAATTACAATTAGAGAATGGGTTTTAGGTTCTGAGACTGAAGCCTCTCTGATGGATGCAAAAA  
AGTCAGATCTACCTGGATATGCTGTTTTAGTACTTCAAAGGGCACAATAGTTGTGGAACCTTACAAAGAAAG  
TGCCCTGAAGTCGTTGATGAGTTTATTGATTATGTCAAAGAATCGTTTTAGTGGAATGCTGTTTCATCATG  
TGATAAAACACTATTCAATTCAAGTGGGCAATAGCCAAGATCTTGGGGTCGCAGAAGATTGGATTCTGGGAG  
GAAAGCATCATAGTCAGCCTGATGCAAGTTTAAACACGACGCCTTTTTAGTCGGCACACCAAGGGGGAAAC  
CTAAGAACAAAGGATTTGAGATTTTCATTACAACCTGCACCAATTCCAGATCTTAGTGAGAAGCTGATCATCTC  
GGGCAAGTAATCAAGGGCGAACACGTTGTACAGGAGATTGAGGAGGTGGACACAGACGAGCATTATCGACC  
TAAATCTACAATCAAAATAAACACATAACCCTGAGAAATGAAATATGATTGGGCTGCGTTTGGACATGGAGA  
GCATTTAGCATC

>trans\_c\_2294 XM\_002527818|Ricinus communis carboxyl-transferase, subunit of Het-ACCCase,  
mRNA

TCATTGCAAACAGAAAAGATCTAAAGGATATGATTGAATTACTGAAATTAGAGGTAGCTAAGGCTGGAAAGA  
CGCCAGATGCAACCTCGAAAAACAGAATTGGGGCTCTCAAGCAGCAAATAAAGGAGAGGCTTGCTGCCGCAT  
TGTATTCTTCAGACTTGAAGAAGAAACATGAAAACTGAGGGAAGAGATATTAGAACTGCCGAATCAGGGT  
TCGATCCTACGGAAGGTGATAGTTCTGTGTATGGTGATGCCAGAATTCAGACAAATTCGGGTGCTGAACATAC  
ATTTGCTTAATTGGTTTTTAACACCAGTACGGATGACCAGGACCATGTTTAAGAAGAAAAAATTTGATGTAAC  
GGAAATTAGTTAGAGCTTCTACAATGGCCAGAAAACAAAGTTAGCCATTTCCGCTTCTAACCCGATACGACATT  
GCATGGTTTTGATAGGTTACAAGATGTAGCATGAAATGAAATAGGAGCAGGAGAAGGACACGGCAGAGCTA  
CATTTTCATTTTCTGTTCTCAGGGATATTTCTTTCCGAAATTAGATCTCTTGAGTTTTAAATTATTTAATCTGG  
CTTCTGGTTTTGTTGTTGCTGTGTTTCTATTTTTTCATGAATAGATCCAAATAGCTTTGTATAGATTGCAATAGT  
ATCTTGAGGCTAATAATGTTTTTCATACTCTTAAAGTGACACATCTCCCACTTTTGATGATTGATCATGGTTGT  
TCAGAACTAAACATCCACCCTGGTTAGAACATTAAATTTGGACCAAAGGGTTTAATGGTCTGTTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2295 NM\_103714|Arabidopsis thaliana emb2191 (embryo defective 2191); catalytic/  
hydrolase/ zinc ion binding (emb2191) mRNA, complete cds

TGGGTTTTCCGCCCTCCGTCTTCCGTCTTCGTCTTCGTCTTCCTTCTTCTTCTACTTAACTCATCCT  
CGCCTTTCTAGTTTAAGATGGATTCTTCAGTGAGGATTGCTCTCCGGTACTCTTAGATTTATGGAGCTTGCC  
ATTCAGCAGGCCAACTCGCACTACACAGCCTTGAAGTGCTGTGGGCTGTGTGATTGTTGAAGATGGGATG  
GTCATTGCCACTGGAAGAAACCGCACTACTGAGACCCGAAATGCCACCAGACACGCAGAGATGGAAGCTATT  
GATATCCTGATTGAGGCATGGCAAAGAGATGGACTTTCAACCTCAAAAGTGGCTGATAAATCTCGAAGTGCA  
AACTTTATGTTACCTGTGAACCATGCATTATGTGTGCTTCTGCCCTATCAATAATTGGTATAAAGGAAGTATATT  
ATGGTTGTGCAAATGATAAGTTTGGTGGATGTGGATCTATATTGTCGCTTCACTTAGGTAGCGGGGAGGCACC  
TACAAGCGGTAATGGGCTAGGAAGGGGGTTCAAATGTACTGCAGGAATAATGGCATCAGAAGCAGTTGGTCT  
CTTTCGAAGTTTTTATGAGCAGGGGAATCCCAATGCTCCAAACCTCACAGGCCTCTTGTTAAACATCAGGCAG  
GCCAATGAGAGGCTTTTGAAATGAGGTTACTTTTGTTACGATTCTGTTCTGTGAAACAGACATTAGCAGT  
GAGAAGAGCTTTTGAATTCGGCAAAGACGAACGATGGATGAATTTCAATGCACATTTAGTACCCGTCTCAACA  
ATATCAGTTTTTGAGCTTGAAGATGCCTACCTCGAGGTTATGATATACAATATCTGTCCCCTTGCCATTGGAAC  
TGCTACCTGAACTAGTCTATACGTTACATATTGATTCAAACTCGAATTTGTATTAATCANTTATATCTACTAT  
GAA

>trans\_c\_2296 NM\_001053487|Oryza sativa Japonica Group Os02g0515000 (Os02g0515000)  
mRNA, partial cds

TTCTTTCCTACCGTTCATTCAATTTTGACTTCTTCTCCATCTCTGATTTCTTTGTTACCCATAGAAGTTAAGGACC  
CGACTGATCCTCTTCAGTTCAACCTCACACTGCCACCGCTCCATTTAATAATTACGATGGCGGAGCATGTGGC  
AGTCACACCATCACCATGTATCAAGCTACAAATTTGGAGAGCTCCATTCAAAGTGAAAAGCCTCGCTCTAGGC  
AATCTCAGTTTTAAAGAGAACCGAGAAAATCCTCCTCTGAGAGCTATAAGTTCATAAGGATCTCAACTTGGA  
GAAGGCGTGAGCTTATTGGTTCTGTGGCTCAAACCTCATTGTAAATCCTGCTCCAGGAAGACCTTCAGAGA  
GCATGCTTACCTAAGGTCTTTGGTAAATGTCGATGGAACAACAGCCTCTGAGGCAATTTTTGTTGATCAATTC  
TTTTGATGACCAGTATATTTCTAACATATATGGCTGGAGTAATACCGGTACCAAAGTCTAATCAACATGGAAAT  
ATCAACTCTCAGACCAATTCAGTCTTAGATAACCAAACCTTTTCTGGTAGTGGCATGAAGACTGATGGTCAAAT  
TAATCCGAAGCATGCATTAGTTGTAGTTAAAGGAAAAATTTTGGACTTTCTAGATGCTTTTGAACGTAGGAAA  
AGTATGGAAACCGAGGTACTCGAATTTACAGAATGTCAGGCCGAGCGACCACTATGCTTGAATGCAATCGGT

GAGGGTCCGAGGTTAAGATTGCTTTGGGCTTCTTTCAACTAATCGAGGAAGAGGTCAACAATATTTCCGTTG  
CTACTATTCAGAACATGGATGATTGTCTAAAATATTTTCTGAATTTATTCTAAAATCCTCTCGACCTGTATGCA  
TGTCTTGGCTGAGAAACGAACTGTGCATGGAAATAATGATTCTAGTAGGGCATTCTTTCTTTGATGTCTGAAA  
AA

>trans\_c\_2297 NM\_122077|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related  
(AT5G20700) mRNA, complete cds

CAATCATGTTGGCCAAAGGGCAACGTCCGGTCATCGGCAGGTTATCCGAGCTTCTCGTCTCCCGCTGCCGTCC  
GGCCTTCCTCGAAACCGGCGCCCCAGCCCCACTTCCCATTTGACCTCTCCCCTTCTCTAGACCCACCAATCT  
CAAAAATTACTCCGCCGCCGTGGACTCGGCATCGTCGCCGCCCTCGATACCTCCACCTCCGGTGTCCGTGGAT  
GTGAAATTTTAGTTAAACACGCTGTTTGTTCCTCCCAAGTTGAATTCCTCGCCGTCTGTCTCCGATCCCCATCA  
CGTTCTCGCCGGAGGAAGACGACGAAGGAGAAGAACTCGACAACCTGGAGGAAAATTACACTTACGTTACCA  
CACGTGGACCTTACGAATCCTCCACACGTGTTTACTACGACGGCGGTCTCGTCGTGGTCAAAAATCGCCTCCT  
ACGCCCCGTACCTCCGATCAAACCTCCTCGCGTCGGACCCCTGATTTCTCCGATCTTGTCAATTATGTGATAAA  
AATCTAGAAGGCAAAGACATTTACATGTACAGAGGGGAAATGGCGTTTTGTAGTACGGAATGCCGGTCGAGT  
CAAATAATGAAGGATGAGAAGAAGGAACGATGTGCATCGGAGGCGAGATCGGGAACGGAAACGGTATCGG  
AATCGCCTTATAACAGAGGGATTTTTTCGACTGGAATTCTTGAATTTAGGTAAAGAACAGAAAAAAAAAAG  
AAATAGAGGAAGAGGAAGAAGAAGAAGGCAAAAGCCATAGCAGCAAAGTATATAGAAAAGTTAGACA  
CGGCTAATAGTTTGGTTTTTGATTATTGTATACGTAAATGACTAGTGGGGGTGACAATTATTTTTTGCCCACTTT  
CTTGTATATGAGAAATAATTAATAATAGAGAGCAAAGGCTAAATTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_2298 EU001743|Gossypium hirsutum trans-2-enoyl-CoA reductase (ECR2) mRNA,  
complete cds

ACTTTCTTCTCACTAATCCATGGCAAATTTTTCTTTAATTAAGAATTTAGGTTACGTTCAACCCAATAAATTTA  
TTCAGTTGGCTGTGCGCTCCAGCATCACACTGATCAAACGATGTGTGCAATTGCAATTAGGAGATGATTAGCG  
ACACGGTTCATCAGTCATCGGAATTAGCTCTCTACCCCAACTGCTCACCATTAAATAGCCTACTTCCCAACCTC  
CCACTTCAAACCCAGAACTTTTTCCAATTTTAAATTCACACCCATTTGCGGATCTCATCATATATTCATTTTTTG  
GGTCTGGGTCTTCTCATTTTGTCTTTTTAGGATCTGGGTACCAATTTTTGGCTTTTTTCCCAACTGGTCTCT  
AATTTGGCTGCAGAAATGAAGGTCTCGGTAGTTTCTCGCAGTGGGAGAGAGGTTGTTAAAGAGGGTATTCAA  
CTGAGCGACTCTGCTTCGGTGGCAGATCTACAGGATGCGATTCTAAGCGAACCAAAAAGTTCTATCCAGCTA  
GGCAAAGGCAAACCTTTCCCGTTCAACCTGGTTCCAAGGAGAGGCCTACTGTTCTTAACTCCAAGAAAAGCCT  
CAGAGAATATTGTAGCGACAACCTCGGACAGCATAACTGTTGTCTTCAAGGATTTGGGCCACAAAGTTTCTTATC  
GTACCTCTTTTTCTTTGAATACTTGGGTCCATTGATCCTCTACCCCATCTTTACTACTTCCCTGTATATCAGTTC  
TTTGGCTACCAAGCAGAACGTGTTATCCATCCTGTTTCAGACTTACGCAATGTACTACTGGTGTTCCTACTATTC  
AAAAAGATCATGAGAACATTTTTCGTCCATAGGTTTCAGCCACGCGACCTCACCCTTTCAAATGTGTTTCAGAAA  
CTGTGCTTACTACTGGTCTTTTGGCTCGTATATTGCATATTATGTCAATCACCAACTTTATACCC

>trans\_c\_2299 XM\_002883111|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata catalytic/ coenzyme binding  
protein, mRNA

ATCTCCAAAACAGTCGAGTATTGCCAAAGAAAAGGAGTCAGCCGAAGAAAATGTGACAGAACAGCCACCATC  
TCAAAGTGTTTCATCAGAACAGTTGAACATCAGAAAGGAAAAGGAATTAGCAGTAGCAAATGCTACAAAACA  
GTCATCATCACCTACATTGCGTATGAGGATTTAAACCTCCAACATCTCCTACTCCAGCTGCACCTGTTGGGA  
AAATAGATTTAAATGTTGTCCAAGGAGTCTCATCTAGTGCTCAAACCTAGTTCAGTAGAGGCGTCTTCTGAGATT

GCTGAGGCAAATCCCCACCTGCACCTGCTCCTGAAAAAGCAGCGACATTGAAACCTCTCTCCCCTTATATAGC  
ATATGAAGATTTAAAGCCTCCTACATCACCATCTCCTAGTGTACCTTCCCTATCATTTTCTTCAGCATCTACCTCA  
AACGGTCCACCTCAACCTGCTACCTATGCCATAAACAGCCCATCGGCGATTCCAGAGGCAGAAGACTCAAAGA  
GTGAAGCACATCTTCCCAAGCCGAAGAAACAACAACCGCTGTCACCTTTTACCATGTATGAGGATTTGAAGCC  
TCCGGCCTCTCCAACGCCATCTCTTTGAAAATCTTAAGAAAAGAGCTTTCAGTTTTCTGCTAGTTACAATTTGGA  
CAGAGACAAACAATTGATGAGGGGTGATACCGCCAGAGTATATACATCTTTATATGTAATAATACCAACCTTTT  
GTGTCTGAAGAACATTTATTAATTTTTCCCGTCCAGATTCCATAGACGACACTGTTGAATGTGCTTTTGCAACCT  
CCAAGTTGCTTATTGTTTTGGCTGTAATTTCTATCAAAGTTACAATTTTGTGGCATTAGCTTCATTCTGGTTTTT  
GAACTATATTGGGTTTTTCCAAAATACCACTACGTTTTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2300 AY105830|Zea mays PCO092732 mRNA sequence

AGATTCCACCATGGAGTCAAGGTATGGATTTCTGAGAGGCACATTAAGAGCACCTGCTGTTGGTTGGATGATG  
TATAATATACTCGTCAGCAATGAAAATGCAATTGAATCACAGTATAAATCTCATGTCTATGCCAACCTGAAAA  
TGTTACTCAAGAAATTATTGAAAGCAGATATGCACTGACTAAAAGAGATGGCGCTCGTTATGTGCCTGCTGCT  
TTCTTGACTGGTCTTCTCGATCCCGTTAAATCCCGAGAAGAATTCGTGGAAGTGTTCAGTTTTGGATGGAAA  
GATACCAATTTTGGTTGTATCAACAGAAAAATCTCCATAGAGGTCAAAGGCAGAAATGGAAGCTCTACGAGG  
AGCCAAAGGGGTAAAGCAAGTTTGTGGAGTTGCCAAGAGCCCTTCTGCCACAAGAAGAGTATCCACCAGTAGT  
TGCCGAGGAGCTCCATCAGTTCTTGAAGGAGAATTTTGAAGCTGCTGATTGAAATATATTTGTACCTTAAAGTT  
GTTGAAAGATGTGGGTATAGCTAAAGGATCTTAAGACTTTAAGAATGGGCAAATTTTGTGAATTGGCCTTAA  
AATAAGTAATACAATACAAAGACATTCTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTTTCAACCCCCCCCCCG  
GGGGGGGGGGCCGGGCCCCCTTCCCCCTAAAGGGGGTTAAATAACCCCCCCCCCGGGGGGCCCTTTTTTAACA  
CCCGGGGGGGGAAAACCCCGGGGTTTCCCAATTTTACCCTGTGGAAACACCCCTTTTCCCCGGGGGG  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2301 EF427896|Malus hupehensis arginase mRNA, complete cds

TGCTCTTCCACAGCGCATACCTTATTTTATTGGCTCACTCTCACTTTTGCAGTTTGCTCTTCCGTTTCAAATTTCC  
ATTCACTCGTTCCCTCCATCAGCTCCCTCGTTCTTCATCAAAATGTCAGTGTGGGACGGAGAGGAATTCATTA  
CTTTCAGAACTAAATTCTGCAATATTCCTCCGCATTGATTGAGAAGGGTCAGAATCGTGTTATTGAAGCAT  
CTCTAACACTCATTCTGTGAGAGAGCGAAGCTCAAGGGTGAGCTTGTGCGTGCTCTAGGAGGTGCTGTAGCAT  
CAGCTTCTCTTCTTGGAGTTCCTTTAGGACATAATTCATCATTTCTTCAAGGTCCAGCCTTGCACCTCCTCGGA  
TCAGGGAGGCAATCTGGTGCGGGAGCACAAATCCAACCTACAGAAGAAGGGAAAGAACTTACTGACCCAAGA  
GTGCTGACTGATGTTGGCGATGTCCCTGTCCAAGAGATCAGGGACTGTGGCGTAGATGATGAAAGATTGATG  
AAAGTTGTGAGCGAGTCTGTAAAGCTGGTGATGGAAGAGGATCCACTACGCCCATTTGGTTTTAGGAGGCGAC  
CACTCTATATCTTACCCTGTTATCAGAGCAGTATCTGAGAAGCTTGGGGGCCAAGTAGATATTCTTCATCTAGA  
TGCCCATCCTGATAATTATGATGCTTATGAAGGAACTATTTTTCGCATGCTTCTTCTTTGCACGAATCATGGA  
AGGTGGTTATGCCAGGCGACTTTTGCAGGTTGGTATAAGATCAATATCACAAGAAGGACGAGACCAAGTGCAA  
AAGATTTGGAGTGAGCTATATGAAATGCGAACATTTTCAAGAGATCGTGAATATTTAGAAAATTTGAAATTG  
GGAGAGGGCGTAAAAAGTGTTATGTTTCATAGATGTCGACTCTTGGATCAGCATTTGCTCCGGAGTGCTCAT  
ATTGAA

>trans\_c\_2302 AF289052|Arabidopsis thaliana reduced vernalization response 1 (VRN1) mRNA,  
VRN1-Ler allele, complete cds

>trans\_c\_2303 XM\_002871540|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutaredoxin family protein, mRNA

>trans c 2304 AJ298245|Quercus robur mRNA for geranyl diphosphat synthase (gppS gene)

AGGAAAGAGCGTTTTCTCTTTGAGTTTTACACCGCTAAGTGTATGGCTATGCTTCGCCGTCGTATCAAAAAG  
CCTTCAGCGGCGGCGCTCTCTTTGTATCAAACCCAGTTTTTGTATTCTCTCTCTAACCCTTCTCTTATTCTCT  
CCTCTGTATTTTTTTCATCTCTGAAGAAACACCATCTTCTCTCTGTTATAAGCTTTTTGGGAGGTGCAGGATGT  
TGTTTTATCGTGGACTTTCCCGGATTTGAGGATTCCCAGAAACAGCTCCTCTTGTCGGTGGTTTCTGTCTCATC  
GATCAGATACTCGTCCAGTTCTTATACCTAACTTTCCATCTTGCATCCTTCGGAATCTGATCTCCAGGCTCTAG  
GATGCAGAGAAATCATGTACTTGGCTTCTCCCGCTTTTCATGGTTTGGGACATCAAATTCATCATCAAAGCAGC  
TCTTTAGTTGAGGAACAGCTTGATCCATTCTCACTAGTTGCAGATGAGCTATCGCTTCTTGCCAATAGACTCCG  
GGCAATGGTAGTTGCGGAGGTTCCAAAACTTGCTTCTGCTGCTGAATATTTCTTCAAATTGGGCGTTGAAGGG  
AAGAGATTTTCGTTCAACGGTTTTATTGCTAATGGCAACGGCTTTAAATGTGCCAATTCCTAAACCTCTTCCTCAT  
TTAGTAGAAGATAATTTGACAATGGATCTACGCACAAGGCAACAATGTGTAGCCGAAATAACAGAAATGATTC  
ATGTGGCCAGCCTTCTACATGACGATGTATTGGATGATGCAGACACAAGACGTGGCATTGGTTCAATTAATTT  
TGTGATGGGAAATAGATATCAGTTTTAGCTGGAGACTTTTTGCTTCTCGAGCGTGTGTTGCACTTGCCTCTT  
GAAGACACTGAGGTGGTATCATTAAATAGCACAAGTTGTGAACATCTAGTGACTGGTGAACATATGCAA

>trans\_c\_2305 NM\_106264|Arabidopsis thaliana maoC-like dehydratase domain-containing protein (AT1G76150) mRNA, complete cds

ACAACAAAATTTATGGAATAAATTAGCATTTTGTAAATTTAGATTAGATTTCATACAAAGGTCCGTTTCGTTG  
GCATTGTCAGTTTCCCAAATTGGGAGATTTTGATTTGAGCTGTTCACTACAAATTATCCATTGCGCATGGAGG  
TCAGCATCACCCATACTCTCTGCCTCTGACTTCGTCTGTTCAAGCACGTCATTGCGCCATCCTTTCCCATCCCTTG  
ATCCGATTGATGCCTCTTATCCTCTTCAATCTCTAGATTGACTTTTAGCTTTCAGTTTCGCATCGATTGAGGCTG  
CTTCCTGGTTTATCATGGCGGGTAATCCATCGCCCTTTGATCCTGCTCGTATTCTTGCTCACAAATCCCCGAGA  
CAACGACCACCTATACTGAGAGAGATGTCGCACTCTATGCCCTGGGTGTTGGAGCATGTGGTCAGCAAGCTGT  
GGACGCTGATGAGCTGAAATATGTTTACAATGAAAATGGGCAAGAATACATCGAGGTTCTGCCAACATTTTCT  
GCTTTATTTATCCTTGACACTCTGAGCACCGGTCTGAACTTGCTGGACTGTCGTATGACCCAAAGCTCTTACTC  
CATGGTCAGCAATACATTGAATTATACAAGCCACTGTCATCTAGTGGATATTTAGATAATAAAGTCTCTCTTGC  
TGGGTTGCATGACAAAGGAAAAGCAGCTATTCTTGAGGTTGCGACAAAAAGTTATGACAAAAAATCTGGACA  
ACTATTATGCATGAATCGGACAACTCTTTTTGCGAGGTGCTGGTGGGTTCTCAAGTTCTTCTAACCCCTTCTC  
CTACACAACTACCCGAAAGATCAAGGATCAGCAGGGAAAATTCCAAAAACACAGCCTTTTACTGTGTATGAG  
GATTGTACTCGACCATCTCAGGCATTATTGTATAGTTATCAGGTGACTATAATCCTCTTCATTCTGAT

>trans\_c\_2306 DQ504309|Vitis vinifera MADS-box protein (MADS8) mRNA, complete cds

AGGTTCTATTTCTTTCTTGAGATTTCCAAAAAAGAAAGAAAGAGATCAGGTTCTTCATCAAAATTCAATTC  
TCTTCTCTCTAAAATTTCTATCTTCCATATCCTTCTTATTTATACTCCATTTCTAGGGTTCTTTCTTTCTAGTAG  
ACTCTCCTCCAGGAAAAAATAAAAAATCCCCCCTTTCTAGGTTTTTTCCCCTCAAGATTTCCCCCTCCCCC  
CCATTTTATCTCAAAACAAAAATTTCAAGATTTATTCATATAGGTATGGATTTGATCCACTTTTTAGCAAATGGG  
TTTTGAGAAAAAGAAAGTTTTGATTTGTGGGTTTTGATTGTTTATGAGATTTATGATGTGTAAAAATCTAATCT  
TTTCTGTTTTTGAGAGAAGGGTAAGGAGAGATATATAGGTTTGAAGAGCAAAAAAAAAAATGGTGAGAG  
GGAAACACAAATGAAGAGGATAGAGAATGCTACAAGCAGGCAAGTTACTTTTTCAAAGAGAAGAAATGGG  
TACTGAAGAAGGCTTTTGAGCTTTCAGTTCTTTGTGATGCTGAAGTTGCACTTATCATTTTCTCTCAAGAGGC  
AACTTTATGAGTTTTCCAATTGCAGTATGAACAAGACCATTGATCGATATCAAAACAGAACCAAAGATTTGAT  
GTCGAGTAACAGCACAGCCACTGAAGATGTGCAGTTGGAGAAGGAATACGACTCCTTTAGCATGACTAAGAA  
GTTAGAGCACCTGAAGTTTGTAAGGTTTGAGATTATTCTGATGAATACACACACAAAAGAAAAAGTTTAT  
TTCCTTAATTTTTGTTACATATTAAGGGCATGGTTTGAAGTTCAAAATCACTTTCTGTGATGATCAGAGAATCAC  
TTAAACATGCATTTAATGTTTCAAAATCAGTTAATTCNAATTGATTTGAATTTATAAAACAAGTTGGA

>trans\_c\_2307 AF150627|Cucurbita moschata phloem protein 2 (pp2) mRNA, complete cds

GATAAGTTGAATTATCAAAGTAATTAATTAAGGGTGGAAATGGGTTCGGAAGAGGAAGCAAAAAAGCTCTTG  
GTAAACAAACTTGTGTATAACAATTGCTTAGAATCAATTTTAGCCCTCGCAGACGACAAAGCTGCACTCAAGTT  
GCCAGTCTTCCTTCTCTTTCGATCAACTAGCTGGTGGCATCTCCCTGTGCGGCGGAAGTATAAAATTCAGAC  
TTAATATCGCTACAAACACTAATCGACTGTTTATATTACCAAAAAATCCTCACTATTTACCGGGTTAACGATCCCC  
GATACTGGACATGGATCCACATCACCGACCATATTACTGCTGTGGATGGCCCTAACTGATTTCAATAACAAA  
GCTCGATATACGTGGAAAATTTAGTTCACGATTGCTGACACAAAATACTGTATACGTGTGCGCATTATTGGTAA  
TTTTGTATGAGGATAAATCCGGATGGGAGACTCCTGTGAACGTTTCACTCACCACACCAGATGGAAAGACAGT  
AACGAACCAAGTAAGCCTTGAGAGGAAGCCGATAGGCATGTTTTTGAAGTCCCAGTAGGCGAGTTCACTGTC  
AATAACAAGGGATGTGAGGATACTGGCCTCGTCCAGTTCGCCGTAACGGAATACTCAAACCATGAAAAACGT  
GGACTGCTGATCAAAGGTTGTCTTGTTCGAGCAAAGTTTTCAAATGGCTGCACGACTCCAAGTGTGCCCTCGTT  
GGCATAAAATTTCTCTTTTCACTCAAACTACATGTTGTATTTGAGGCACCTAGCTATAAGTTTATGTTTTAT  
AATTACCCAAATATGAAATGACGAAATACGCAAGAGATGTAATAGCATCAAAAGATTATATAAATAATACACA



CACCGTTTTTGCATACTAAGGCTAAACGGTTATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_2308 FJ938290|Gossypium hirsutum calcium dependent protein kinase 1 (CDPK1) mRNA,  
complete cds

GTTCAAGTCGACGGTGTGGCTCCTGACAAGCCACTTGACTCGGCGGTCTTGTCTCGCTTAAAGCAGTTTTCTGC  
CATGAACAAGCTCAAGAAAATGGCGATCAAGGTGATTGCGGAGAGCTTATCTGAAGAAGAAATTGCTGGGCT  
TAAAGAAATGTTCAAGATGATAGACACTGACAACAGCGGTCAAATCACTTTTGAAGAACTCAAAGCTGGACTG  
AAAAAATTTGGAGCTAATCTTAAGGAGTCTGAAATTTACGACTTAATGCAAGCAGCGGATATAGATAACAATG  
GAACCATTGACTACGGTGAGTTCGTAGCTGCCACATTACATCTAAACAAAATAGAGAAGGAAGATCATCTTCT  
AGCGGCTTTTTTCATATTTGACAAGGATGGAAGTGGGTTTATTACGCACGACGAAGTTCAACAAGCCTGTAAA  
GAGTTCGGGATAGAGGACCTTCAATTAGAAGAAATGATGCACGAGGTTGATCAAAACAATGACGGAACAATC  
GACTATAACGAGTTCGTGGCAATGATGCAAAAAGGAAATGTAACCAATGCTGGCAAGAAAGGTCTTCAAAGC  
ACTTTCAGCATTGGCTTTAGGGAGGCTCTAAACTTTAGTTTTCTATGTAAAGGTATCAATCAAGTTTAGTTTTCT  
TTATTGTTCTTGCCTGCAAATTACTGTAGCAAGGAGTTGGGGCTGCTCGCCCGCTCGCTCTCATGCATTCAAAA  
CCACGTCATTCATTTGATCGATCTCTTCTTTTTCCCGGTATTCTTGGCCAGAATCAACCTAAAACCTTAGAGTA  
CTATACAGAGAAAAAGGCATATATTTTTCTTCTTTTTTCCCTTACATTGTTTTGTATCATTATGTAAGACTTT  
TGATGAGTAATGAAAATTTGAATTCTGTTCTAAGAGTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_2309 NM\_115527|Arabidopsis thaliana nucleic acid binding (AT3G56680) mRNA,  
complete cds

TCACAAACAAAGTTCTGTCAGAAGTGTGGAAGAGAGAAAGGAAGAATATGATAGGGCACGAGCTCGAATCTT  
CAGCTCCCCAAGTAGTCCTGAGATAGATGATACAATATCTCAAACCCCATCTGAAGGAAAGTATGCATGCTCA  
AACAGGGATGAGACTGAAGGCTGTAGAAGTTTGGGTGGTGATTTGGAGAAATTTAATGGCAGGGATGGCAT  
GACTTCTCGTGTTGCCATTTTTAAAGATAGGGAAAAGGATCGTAGTGACCCTGATTATGATCGCAATTACGAT  
AGGTATATTAGGAACCTTCCAACCAATCAAACTTAAGCTTGGCTCTTTTATTATGCCAAAATTACAGCTCCA  
TTTGTACAATATGATTCGGGTATTTCGCTCGTGGGTCATATGCCCGGAAGTCAAGCTTCAGTTAACTATGGGCC  
TCATCCAAGTTCTGTTGTAAGCCCTTTCTGTGCAATGGGTTTAAACCAGGCATCTAGGGATGCTTCTTATGAGC  
AGTGGCAGAATGCTGCAATGATGTATGCCCATTCCTACAACAGTTTCAGGCATTCTGCTTTTCAGGCCCATTC  
TGTCAGCAACCCCTCAGCTTTGACTATTCTCAAAACCATTAGATATTATGATGAGAGAAGTTTAGGTGAACCCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAA  
AGGAACATTTTACAATTAGATTTTGTACTTTTCTAGAAGGGGGTTGCACTTTACTTTCGATTGCTTGAACTCA  
GTTCTAGTTTGTGACACTTTTGTCTTCATTTGGATATTTCTTCTTATCATAAGAATTTGTAAGACATTAAGC  
ACTTCTTATTATACCTTTTGGTCAATTTTACAATCCTCCATTATTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_2310 NM\_001084504|Arabidopsis thaliana ATRBL1 (Arabidopsis thaliana Rhomboid-like  
1) (ATRBL1) mRNA, complete cds

AAAATTAAGCCAAATAAACTGTGTCCACCAATCCTTTCAATCCCTTTGATTCTATCGATTCTTCAATCACCCCC  
AAATGGGATTCATCCCCTTCTGAGTTTGATTACGTACCCTTTGTTTCCAATCGAACTTGTAATGGCGAGGAA  
AAAACCCACCGCCGGCATCGAAATCAAGGTTCAATTCACGACATGGGGAGCACAAGGTTCAACCGGCGGCTGC  
CACATCACGGCCGTCGAGGACTTCTCCGACGAAATTTGGTCATTACCGGCTATTTAAGAATTGGATTCCATGGC  
TGTTGCCGATTTTTGTGGTTGCTAATTCATTATGTTTACAATTTCCATGTATGTTAATGATAGCCCCAAGAACT

CTGCCTCTTGC GTT GAAAGGTTTTT GAGTAGGTTCTCATTTCAGCCGCTTAAAGAGAATCCCCTTCTTGGCCCTT  
CTTCTTCAACATTAGAAAAGATGGGTGCTCTGGAAGTTGATAAAGTGGTTTATGGGCACCAGCCATGGAGATT  
GATCTCTTGTTTATGGCTACATGCAGGGGTGTTCCATATACTTGCTAACATGTTGAGTCTTATTTTCATTGGGAT  
AAGGCTCGAGCAAGAATTTGGCTTTGTTGCAATTGAAATGCTGTACATTGTATCTGGGTTTGGTGGCAGTTTG  
ATGTCGGCCCTGTTTATCCAGTCGGGCATCTCAGTAGGTGCTTCGGGTGCTCTTTTGGTCTCTTAGGAGGCAT  
GTTGTCAGAGCTACTTACGAATTGGACGATATATGCAAATAAGCTTGCAACCTGTTGACTCTCCTCTTCTTCCT  
GTCATTGTTTTATTATCAAAGTGTATATGACAACATTTAATCATGTCTTCATACACCAACTAATCTGTGCCAAGC  
TCAGATTATCAAATAACACAGCTTTTCATTCTCATCTCTGACAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2311 Novel Gene

TAATCTACTTTAGTTTTACTGCTGCAGATCAGAAGTCTCATCATGCACATGATTATGAAAATGTCAAGTTAATAT  
GCCAGGAATGTCTGATGCAATACTAGCTTATGTTATGACACCCATTACATTTGATACCAATATTCCTCTCAAAC  
TAGAGTACAATATTTACTTTTTGGTTCAACTGCACGGCCAGATGGGCTCGACCGAATTTGGTGTGATCTAACT  
TTGGTTTAATTACGAGTTGATACAAAAGCTTAAGTTAATGGGTGGAGATAAATGTTAGCATTTCTGTCAATTGT  
GGATTTGAAATATGCGGAGGACCAGACAAGTAGAAATCAATGTCAATTTGGGACGAAATGACATTGTAGGGC  
TTTGAAAAACATAGGACATTGTAGATTACTTGCTTTGATACTACGTTAAATCACTTATTAACCCAGAAACATAA  
ACTAACGAGTGAAGAAAAATTTAATATTATATCATGTAATAGCTTTGAATGAATCTTTAGATAGGATGGGGAG  
TGGAGGAATGTTACACTGTAGTTTATATGTTCTGCTGTCCTATTGCACCATTGTTCAATTGGTTGAACTCTTACT  
ATATAAACTTATATTCTATTGTTAACTAAATCTTCTTTTTTGGGTTGCACAGAGGAACGTGTTCATAGGAAATT  
CATGGGATAAAACATTTGTTGAAAGAATATTTTATGGGTGTCAGTTGATGGTTCAGCCTTCGTATTCTGTTGCTT  
TGAGAACAGTTTGTGATGCTTAAAAGTTCAAAGAATCCTTCAACTTCGGGGAGGTATTCTATTGTACTACTAT  
GCCAATTTAATATCGTGGTATCTTATTTATGGTTTTGAAAAGGGTAAAAAAAAAAAAAGAAGAAACAAAAGAA  
AAATAATGTGTATTCATGTAAGGATTGTTATGCCTTTTAAAGAGTAGGGAAAAAGCAGGTGCCTTGAATC

>trans\_c\_2312 NM\_125239|Arabidopsis thaliana glutaredoxin family protein (AT5G58530) mRNA,  
complete cds

AATTACGACCTCTCATAAAAAGCAAAACCGCCTTTCTTTTTCAAACCGCTACAATACCCTTCACCTTCAATCTTC  
AACCTTTCTTTCCCTTTTAAATCTTATTTTCTCTCTCTTCTTTAGCCTAAAAACTGAAAAAGCTTCATTCCCCTG  
CAAAATTAACCCCTTTCCCCCTTTTCTTCACACATTGAATCATCCAAGTCTTCGCTTCAAGCAATTGAGAACTT  
TTTTTTTTTCTTTTGGAATTTGAGCCGACGTGAGGTATAATTTGTTCTTTTCTTTTGTGTTGTTCTTTTTTTT  
GTTGATGTTGTTTACGATTCCCGGCGAGGAATTCCGGCCTCGATGTGGCGGCCGGGGAGCAAATCGAGGGCA  
CAGATTCTGATAAGTCTTACAATCGTCTCCATTCTTGTCTACATACAAAGACGTTCAAAAACCTTTTCGCT  
GACGAAACCCCTCCTAAACCTACTTCGAAAAAGCTTCAATCGTTTTCCATCATGTTGATTGTTAATTCATTA  
CTTAGGGCGTGGTCAAATCTCCCGTCCGATAGACAATCGCAGCTTCCATTTCAACCTGAGTCTGAACCGGTCCT  
CAAATTTCTAGACCCTAAATCGACTAAATCGCCGAGGTTCCGACGCGATCTGAGTCCGGCCCTGTTTCGGATA  
AACGAATCGTGGTTTACTTCACTAGCTTACGTGTTGTGAGGTCTACGTTTGAGGATTGTAAGACCGTCCGTTCA  
ATACTTCGAGGGTTTCGTGTTTCGATTGATGAACGAGATCTGTGATGGATTGAGGATTGTTGGCGGAATTAC  
AGCAGATACTTGGTAAAAAGGAGTTGCCCTTACCGACGTTTTTCATCGGCGGGGAGTACATCGGTGGAGCAG  
AGGAAATCAGGCAGTTGCACGAGATTGGTGAGCTGAAGAAGCTGATCGAAGGCTTGCCAACGGC

>trans\_c\_2313 NM\_120363|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein  
(AT5G02850) mRNA, complete cds

CGGTGGTGTGGCTACGGTTCAATGGCTAAATCGATGTCGGTAACTGTTTTCTTTGAGATTTTTCAGTGCGTAT  
TTCATAGTTTTGAAGGTTTATAATTGATTGGGGGGTTTTTGTTCATTATAACTCTGTATGATTACACTAGATA

TCTTGGTGTCTTACTCTCTAGATTGAATTCTGTTTTGGGCATATTAGAGTTTAGTTGTTTGCTCTCTATTTGTGT  
ATGAACCTAATAACAATTCGTTGAAGTACACAAAAATATGCTTCAGCATCAAATTGTTCAATCCCCAGCTAGAT  
TGGGGTTGACAAATCCCAATTCTCCCTCTATTCAAAACCTACTCCACCTAAATTGCCCCCTTCTCAACAATCCC  
ATCACCAAAATCAATCCAATGTCTCTTCTCCACCCCTTCTCCACTCTCCTTCCCCTACTTCTCTCTCTCCTCGA  
GCTCAAGCACTTCTCCTTCAAATGGCTTCATTAGCTTCCAAGCTCTTTGAAGTCTCCCCCAATCGCTCCCTTTGG  
CTCACTGCATTTGAGGGTCTCTTCCCACTTTTCTTACTTCTCAAACCCAGTCCTCACCTCTACCTTTCTTGATTC  
TACTCCGTCTCTTCTGAAAGAAATTTTGTGCTCTTTAATGTCTGCAGACCCAGTTGTTTGAAGCTGTTGCCGA  
GCTTCAGGAGATTCTTGATCTTCAAGACTCTAAGCAGAAGATTGCTTATGAGATACGAGCTAAAGATGCTGCT  
CTTCGTGCTTTTGCTAATAAGCTTAAGGATGCTGAGCAGGTACTTGATGTTTTGTTGATGATTATGCGGACTA  
TCAGCGTCTCGACGGGTAAAGACAGAGGGTGGTGTGAAAATGAATCTTTGTGTTGACCACAGTTGCATCC  
CAGTTGAGATTATCTGATATATTGTCGTATGCTCATAGGATAAGCTATACTACTTTTACA

>trans\_c\_2314 NM\_001063546|Oryza sativa Japonica Group Os06g0186600 (Os06g0186600)  
mRNA, complete cds

ATCCCTGAAAATAGAACAACAAGACTCTACTTGTACCACTGTAGAACATCACTCTCAAGAAGCACCATCACCTT  
GTTTCAGCCGAAGCAAGTGCAAATTTGAAGTTGGTAGCTCTAGAAGCCCAAGAAATTGGGAACAAATGAAAG  
TGCCCGGGCTCCACCCGTCCATGTCAATGAGTGATCTTGTGAACCACATTGGGCACTGCATTCAGAGCAGAT  
CACAGCGGCAAATCCGTCAATTTGCCAATCAAGGACCAGAATACCAAGACATACTAGAAGACATTACACAATAT  
CCGCTGAACGACAACCAATCCACAATTCTGATGAGAAATCTCTCATGAAAAGGGTCAATTCTCTCTGTTGCCT  
CTTGCAAAAAGATCCAACTAATCCCACAACCTCAGAACTCACTGTTCAATGATGAAAGTCGAGGCGAAGGACCC  
GACGGTAGGAAGAACGATAAAGTTGGTAACATATTAAGGGGAGATATCAAAGCTTTTGCGGAGGACGTAA  
AGATAACTCCGGCACTAAGCAGGCAGTCGGTATGTCTAGGAAGGATTCGTTTGGTGAATTGCTTTGCATCTT  
CCTCGAATCGCTTCTATCCCGAAGTTTTTGTTCATATCTCAGAAGAAGATAGTGAAAGTTGAAGTTAAAAGTA  
AAAGTTAACGTCTCTGGCTGAAATGTTTCTTCTGAACATTGCTTCACAAATCGGCATCCGAGACGATTTACAAG  
CAGATGAATAAATCTGCATGGGATTCTGAAATATATATTGATGACTAATCCTGTATGTGTAATTTTCATGTATTT  
AGGCAATTCATGTATGTCTACACCCGTTTCAATTCTTTCCCATGAAATGTTATGAAACCTACTTGCATAAGTTGT  
AAATGGAATATCCCTTGATGAATCAATCCATTTTAGAGGTTAAAAAACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_2315 NM\_001061644|Oryza sativa Japonica Group Os05g0295100 (Os05g0295100)  
mRNA, complete cds

GTTTCCACTCAAACCCAGATATAAATGGATTCTTCAATCGCTACTGCAACAACCTCGAAGGAAAGGTGAAGTT  
GTTATGTGAATACAAAGGCATTCTTCCAAAAGTTGTGCTCCAAGTCCGTCAGGTTTACGAGAGATTTAATTCAG  
ACTCTTTAGCTGATGTTGATGATGCTCGTCTTGAGTACTTTTCCAAGAAGGTGTTTCCAAAGATAAATGAGTCT  
AGTCAGGGTGGAGTCATGCTATTCATTAGTTCTTACTTTGAGTTTGTCCGAGTTCGAAACTTTTTGAAGGCACA  
GAACGCTTCATTCTGTCTCCTTGGGGAGTATACAAAGCAAAGTGATATCTCACGAGCACGAAATTGGTTTTTTG  
AGGGGAAGCGGAAGATCATGTAAACACAGAGAGAGCTCATTTTATCACAGATATAAGATCCGTGGCATAAC  
AAAACCTTAATAATGTATTCCCCTCCTGAGAGGAAAGAGTTTTACCCTGAGATTGTAAATATGCTTGATGAATCC  
CAGAATATGACGTGTAGAGTTCTATTTTCTCTTTTGATCAGCTCCGGCTGGAGAGAATAGTTGGAAGTGTGCC  
AGCAAAAAAGATGACAACATCAGAGAAAAAGGTTTTCATATTTTGCTAAACTCCATTTTAGCTGTCGTCAAGC  
TTGCTGAAGGACAGGAACAACCATGTGATGATCTCGATGCAAAAGTAAAGATGCTTTGTTCTCAACTTCAGA  
ATCTATTTACGGTGAAGAGTCAGTTTTGATTATGCTTCGGCCCTCCATTTTTGCTTTAAGTTAGTGATTTTTTT  
CGCCATATTGATCTTTGGTATTTAATCTGATTGTTATTTATGTAGTATATGTGTTCAAGATTTTCTTTATGTTT  
GACATTGAGGAAGAACTAATGTAATGGGTCCAATCTTTCAACAACGTTATGATTCCATTAAGTGAATC

>trans\_c\_2316 AL161576|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 72

AGAAATTTGAAGTTCAGTTCTCAACGATTGGGGAGGTAGAAAGAGAACCCAGGCTGTTTAGAAATTGAGAGAAG  
CCAAAGTCATGCAACTAACTGTAGCGACCTTTCTAATCCTTCTTCAGTTGAAGACGAACTACTGACATTCTTCC  
CTATGGTGATCAGACCAATAACCTAGAAAAAACTCCCCTGCCTATTTAAAGGGCATCGAAATACTTTCCTCAG  
CTATATTATCCACTGATGCTTTTAACCTCAGTGACAATGGTGAAGAAGGAACGCCTGCAGGAACAGTTTCTGTT  
CTGAATGAAGCAACTGCTGCAGGATTGGTTGGTTTGATTCCCAACTCTGCTGGATCTAAGCTCGAGAACAGGC  
ATGGACCAGCTGCCCCAAAACCTCAACATCGATAATCAGTTAAGCACCCCTTGTTCCGGTCTGGAATGGAGGGCCA  
ACAGTTTGTGGCTGTTCTGAAGATGGTTTGCCTATTACTCCCTGCAAGCTTGAAGTGCTAAAGGATAGTCTTG  
GTAGGGGTGAAAGACCGAAATCCAGCTGCAAGGACCAGGAAAACAGAACTCGAAAAGTAGGGGAGCCCCAT  
GATGGTGGTACGTCAAAGATGAGAACCGGGGAAAGACAGGATGACAAATGTGCTGAAAACGGTGTTTCAGA  
TCGGGAATTCGAGCATTATGTGAAGGTAATTAGATGGTTGGAGTGCAAGGGTTATATCGAAAAGAATTCAG  
ACAGAAATTTCTCACTTGGTACAGCTTGAGAGCATCTCAAACAGAAGTTAAGAATGTGAAGGGTGTGTTGTAT  
ACCTTTATTTGAGATCCAGCATCTCTTGCAGAACAACTTGTAGATACATTTTCTGAATGCATTTCAAGCAAAAA  
ACCGACTACCCCGCCCGGGTCTGCATGAAGCTGTGGCACTGATTTACCCACTCTTGCATCTGCTATGAAGTGG  
TAATCCAA

>trans\_c\_2317 NM\_114778|Arabidopsis thaliana condensation domain-containing protein  
(AT3G49190) mRNA, complete cds

TTACCCATTTTGCCATTTTCATGGAACGTCCATTTCTGCTTCATCTCTCTCTCTCTCCACTCTTTCATTTTCCTTA  
TTCCACCTAATCTCATCTTCCTTCAATACCCCTTTTCCCTTCTTCATGAATTCCGACGAGCCACTCACTCCCCT  
GGCCGCCTCTTCTCCGTCTGAAATCAACCAGATTATCCACTGCCTCGTTGGAGTACAGAACTCCATCGATGT  
CGATTCCGTCAAATCTCAAATCGCTGATTCCATCATGATTCAGCACCCCTAGGTTTTCGAGTCTCCTCGTTCGTGA  
CCGTAACGGCGTTGAGTATTGGCGGAGGACTTCAATAGAAGTCGACCGTCACGTCATCGTCGTTTCCGATCGT  
GTATCGGACGACGTAGGAGTAAACGATGAGAAGGCTGCGAATGAATATTTAGCTGATTTAGCGATTTCTTCGT  
CCATGGATTACAGTAAACCTCTTTGGGAGATTCATTTGCTTTTGGCGCATAACTGTGCCGTCTTCCGAATCCAT  
CACGCGCTCGGTGATGGAATCTCGTTGATGTCGTTGTTCTTGACGTGTTGCCGTGCGGCTGATGATCCGGATG  
CCTTGCCTACCATCGTTTCGGACTTGAAGGCGGTGAGGAGTACTAGAAACAGAGGGCGGAGGAGTTTGGGG  
GAGATGATGTTGGAGTTTCTGTTAGCGGTGTGGTTAGTTTGTGTTGTTGTTGGAGTTTATAGGTAGAGCTTT  
GTGGGTTTGTGACCGGAAAACGCCGATATCCGGTGGGGAAGGGGTGGAACTTTGGCCGAGGAAAAGTGCGCA  
CGGCTAAGTTCGCGTTGGAGGATATGAAAGCGGTCAAGAAAGGCGTTCATAACGCGACGATAAACGACGTTT  
TATTCAGCGTAATAGGGGCAGGGTTATCGAGGTACTTGAGCATANGCAACCCAGGGTTTGAAAGAAAGACT  
TC

>trans\_c\_2318 AY094433|Arabidopsis thaliana At1g79210/YUP8H12R\_1 mRNA, complete cds

AAGGCCCAGAGTGAAAGCAAGGGCCCGTCGACGAAGCCTTCTTCGGCAACAAGAAATCCCCGCTTTTTATCAC  
CACACCAGAGCTTTGCTTTTCTCCGGCATTCCTCAACAAAACCTCCCATTTCAACCTCTTTCTCCATTCACCACT  
TCCTCTTTGCAACTCACCATGGGAGACAGCCAGTATTCTTTTCTCTCACCACCTTCAGTCCTTCGGGCAAGCTT  
GTGCAGATCGAGCACGCCTTGACTGCTGTTGGATCTGGTCAGACATCTCTCGGTATCAAAGCTGCCAATGGTG  
TAGTCATTGCGACTGAAAAGAAATTACCTTCTATCTTGGTCGATGAAACATCTGTTCAAAAGATACAATCTCTT  
ACACCAAATATTGGAGTTGTTTACAGTGGCATGGGTCCTGATTTTAGAGTTCTGGTCAGAAAAAGTAGGAAGC  
AGGCAGAACAAATACCATAGACTGTACAAGGAACCGATTCCGGTCACCCAACCTGTGAGGGAAACAGCAGCTG  
TAATGCAGGAGTTCACCCAATCTGGTGGTGTAAGGCCCTTTGGAGTATCTCTGCTTGTGCTGGGTTTGATGA  
CAATGGTCCTCAATTGTATCAGGTGGATCCATCTGGCTCATATTTCTTGGAAAGCCTCTGCAATGGGAAAGA  
ATGTTTCGAACGCCAAAACATTCCTCGAAAAAAGGTATACCGACGATATGGAGCTTGATGATGCAGTTCACAC

TGCAATCTTAACCTTAAAAGAGGGTTTTGAAGGTCAGATCTCAGGCAAAAACATTGAAATTGGAATAATTGGC  
ACAGATAAGAAATTCAGAGTACTAACCCCTGCTGAGATTGATGATTACTTGGCTGAAGTAGAGTAAGCAACAT  
GTTTGTCTGCAGAGGAAAGTTCTTCCAAAGGCAGCTGAGTGTGTTGATTTTGAAGTGAAGTGAGCCTGCGAAC  
TT

>trans\_c\_2319 Novel Gene

TAATTCGCGCGGTCAAACCTCCCTCCTTCCGCGGCAATTCTCGGCGTTCGTCGCTTTTCTGCTTCTCAGTCTT  
GATTTCAAGAATCAAATTTTAGGTTCCGACGGCAATTTTCTTTTCTGTTTTTCATCTGCCTTCGCCGGAATA  
AATAAGTTAACGAAGAGAAATGGCGTCTTGGAATTCGATTCCGCTCGAGATCATCTACCAAGTTCTCGGATGG  
TTCGCCTTTGTTTCTGGTCCATCAGTTTCTATCTCAAGTCATCTTAAATTTCCGTAGGAAAAGTGTCGTGGGA  
CTGAACTTCGATTTTGTGCTGTTGAATTTGACGAAGCACTCGACGATTTGATATATAACGCCTCGCTTTACTTC  
AGCTCGGCTGTTCAAGAACAGTACTTTGAGAAATATGGTTACGATCAGATGATACCTGTTGCTGCAAATGACG  
TTGCTTTCTCAATACATGCTGTTCTGTTGACGGCAATCACCTTATTCCAAATTGTGATCTATGATCGCGGAACTC  
AGATCGTTTCCAAAATATCTCTGACAATTGTGATTGCTGTATGGATATTTGCCGCAATTTGTTTCTTCATTGGTC  
TGTCTAGCCATTCTTGGCTCTGGCTAATTTCCATATTCAACTCAATTCAAGTATTTATGACGGCTATTAAATACA  
TACCTCAGGCAATCATGAACTTTTTGCGGAAGAGCACTGATGGATTGAGCATTGGCAACATACTGCTCGACTTT  
CTGGGAGGCTTGGCAAATTATGCACAGATGGTAGTGAGTCCATTGATCAAAATTTCTGGGGTAACTTTTATG  
GCAATATTGGGAAGACATTGCTCTCTTTGATAAGTATAATTCTTTGATCTTCTTTTCATGCTTTCACATTATGTAC  
TATATCCCGGCAAGAGGCCAACCGTGTCTCAGAAAGCCGATGACGAGAGCAGAGAGGCACTT

>trans\_c\_2320 NM\_001084826|Arabidopsis thaliana OVA1 (OVULE ABORTION 1); ATP binding /  
aminoacyl-tRNA ligase/ methionine-tRNA ligase/ nucleotide binding (OVA1) mRNA, complete cds

AAGTGAACACTGTGATATAATCTCAGAGGCATACAAGACACTTTGGAAAGATGTAGTCCAAACACATCCCAGG  
ATTTTCTTCTAGATGTAGCTTACGATAAGTTCATTTCGGACAACCTGATCCTAAACATGAGGCTATTGTAAAGGAA  
TTTTATTCAAAGTTCTTGCCAACGGAGATATTTATAGAGCTGATTATGAGGGACTCTATTGTGTCAATTGTGA  
AGAATACAAGGATGAGAAGGAACCTTCTGCTGACAATTGTTGTCCTATACATCTAAAACCCTGTGCTTCAAGG  
AAAGAAGACAATTACTTTTTTGCATTATCGAAATATCAAAGATTGCTTGAAGAACTTTAACACAGAATCCAGG  
TTTTGTACAACCTGCCTTCCGTCTGAATGAGCATCATATCTTCCAAGGTGCAAAGCTGGATTGGAAGTGGCCTA  
AAAGACTTCTCTATCTCCAGGGCATCGGTAGAATGGGGCATTCCAGTTCCCAACGATAAAAAACAAACAATT  
TATGTTTGGTTTGATGCATTATTAGGTTATATATCAGCACTTTCAGAAAATGGTGAGCAACCAATTTACATAA  
AGTTGTTGCTTCTGGGTGGCCTGCCTCTTACACTTGATTGGGAAGGATATTTTACGTTTTACGCAGTTTATTG  
GCCTGCTATGCTAATGTCTGCTGGACTAAAACCTCCAAAGATGGCTTTTGGTCATGGGTTCTTGACAAAGGAT  
GGCATGAAGATGGGCAAGTCATTAGGCAATACTCTCGAACCAAATGAACTGGTTGAGAAGTTTGGCTCTGAT  
GCCGTTAGATATTTCTTCTTCGAGAGGTGGAATTTGGTAGCGATGGGGACTATGCCGAGGATCGCTTCATCA  
ATATCGTAAACGCTCATCTTGCAAATACAATAGGAAATCTGCTAAACCGAACTCTTGGACTCCTTAAAAGAACT  
G

>trans\_c\_2321 BT025767|Arabidopsis thaliana At5g47830 mRNA, complete cds

AGAACCCCAAAAGCCAAAACAAAACAACTGTGCGATACCCCTGATTTCTCCTTGATAAAACCAATAATACCT  
TGAGCTTAATTTGCCGATGATACCATGGACTGTTTGAAGTCCGACATGATGGAGGCTGAATTTCCGTCAATCA  
GAGCCGGCGAAGGAGATTCCGTCCGCCACTTACTCACATTAGCTCGTCAATTCATCAATCAACGAAAGCCTTCC  
CAAGCTCTCCAAGCGGTTGTAATGGCAATGAAAACCTCAAGGTGGGGATGCAGCAGTCTTCCAATCTTTGCACC  
GTGCAAGAGAGCTGTACAGAACCCGGTTGCAGGAGACTGCTGATGTTGATCAACTAGCTTCTTTATTTGCAGA  
GTGTGCTATAGCGGAAGCCCAGCAGCCTTTGAACCCTGAACCTACTGAAATTAACAATAACATGTCTAGCTCA

TCAGTTGTGCGAAGGTCATGCTAATTCAATTCTGGCAGAACTGGTAGGATGCAAGTTGTTATGGATGCCTTCT  
CAGATGGGAGCAGTTTTATTTGTTTACAATGTGGGGGTCTTGTTAGTAACCATCGCAAAGACGAGCATTATGC  
ATATTGGTGTGCCCATATCTAATTGTTTTAGTGTATCAATCCTCATTCTGTCTTACCTGGCGAAAAATATCCT  
CCAGAACTTCGTCTTTTGTGTCTTTCAATTTGTACATGCCACAGCTGCTTTTATGTTGGCAGCCCTAGTTGTTG  
TCGATGCTAGCAAGCTAAGGTTTAAACGGTGTGCCAATTGTTGTAAGCGAGTTCTTTCTTGAGTAGCTTGCA  
ACATATTCCTCTGTACAATGAGAGAGATAAGAGAAGTATAAACACAATCAATTTGGTTTGCGAAGATCATCCT  
CATACATAAGTTCTCATTTTAGAAGAGACAGTAACCAGCCCCGATATATGGGCTTATTGTATGGAGATACACCTA

>trans\_c\_2322 AF227522|Prunus dulcis S-like ribonuclease (PD1) mRNA, complete cds

AAACCCAAACAAACAAACATGAACTCAACTACTCAATTTTCATATTCAATCTTCTCCTTTTGCAACCTCTATCAT  
CCCTTTGCCTTTCTCAAGACTTCGATTTTTTCTACTTTGTTCAACAGGTAAACCCAAACAAACAAACATGAACT  
CAACTACTCAATTTTCATATTCAATCTTCTCCTTTTGCAACCTCTATCATCCCTTTGCCTTTCTCAAGACTTCGATT  
TTTTCTACTTTGTTCAACAGTGGCCTGGGGCATATTGTGATACAAAGAAACAACATTGTTGCTATCCTAAAACA  
GGAAGGCCTGTTGCAGATTTGGGATCCATGGTCTTTGGCCTAATTACAAAGATGGAACCTATCCCTCCGATT  
GCAATCCCGATAGTGTTCGATCGAACTCAGATATCGGAAGTGTTAAGCAGCATGGAAAAACATTGGCCATC  
GTTAAGTTGTCCAAGCAGCAATGGGTAAAGGTTTTGGTCACACGAGTGGGAGAAACATGGGACGTGTTCCGA  
GTCGGAACCTCGACAAAAAGAATATTTGGAAGCGGCTATTAACTGAAGGGGAAGGCCAATCTTCTTAACGTT  
CTTAATAATGCGGGAATTGAAGCAAACGATGAGATGTATAGTTTAGAGAGCGTGAAAAATGCAATAGAAGAA  
GGGATTGGATTTACTCCTGGGATTGAATGTAACAAAGATTCAGCTGGGAATTCTCACTTTACCAAATTTATTT  
ATGTGTTGATACTTCGGGTTCTGAGTTCATCAAATGCCCAATTCTCCAGGCCTAAATGTGCTTCCACCATTCA  
ATTCCCTAAGTTTTAATTAATCACTTCATTAATTTCACTTCTAGATATAATCCCTTGTAATTCATTCAAATTTG  
ATTGCTAATAAAATTTTAATAAACTTTTTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2323 AY090294|Arabidopsis thaliana At2g04039/At2g04039 mRNA, complete cds

ATTGGATTAGTATGTGGATCACAAAACCTCTGTTAACACATTACAATGAGAAGCTATTCCATTGCGCATTGTTGT  
CAGCTTCCTTACAACAACGATTACCTCTAATCTTCACTACCTATCATAATTCTCTACCCTAAATCCCATCTCCT  
CCATTCAAGTTTCAGATGGCAATGATTCTCAAAGGAGGACGCGGACTTGGAGTTTCAACTGCCACTTACTTCCCT  
GCCCACAATCCTAAACCTTCTCCACTTTTCTCCCTTCACATGATGGTACATAAGCTTGCAGCTGAACGCAAAGTC  
ATATGCTGCTCTACCTTGAGGAATCATCTACTCCTACAGTTGCTGCCGAACCAAAGGAGATAAAGACAGTTCC  
AAAGGAAGCTCCAGCAAAGGCCAAACCGCCAGCAAAGCCGAGTGAAGCCACTGCCTGAGTTGATGGAGG  
AAGAAGTCATACCTTCATTGAAAGCAATTCTGAAGCACAAGCCGATGTCTACGATATTGAATTATCATTTCAA  
GACGACAGATTGGATGGTTCGTTCTTGAAAGATGGAGTTCCTACTCATTTTGGGCTTTCTTCCCTAATGGCCT  
CACAGGTCCAAAAGGGTTTTCACTATCTTCATATGGCAATGGAGGAAGCTCTGTTGAGCCCTTTTGGTGCAC  
GAGAAGAAAGTTTCAGCAAAGCTTATAGTTTTCTGGATTGAGAAGCGTTTGGCTGCACAAGGAATTATTCCAG  
TCTGGAAAGACTAATCAACAAAATTATTCTTTTTTTCTTTCTTTTCTTTCTTCTTCTTTTCTTTTCTTTTGGT  
TGGGGCTTCTTTGCAAATGATGTATAGCATAATTCTCCATTCTATTGCAATTTGCTCCTTCAACAATGTTAGCTC  
ATCCTATGGAATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2324 AF522274|Gossypium hirsutum cp10-like protein (CLP) mRNA, complete cds

TTTTCCACCAAACCAAAAACCATTAAAAAACACATGAGTTTTTACTGTGACCATTAACCAATCAGTCTAAATTTAA  
GTTTTTACAATAAGATAGCACTGCAATCAAGTCTGAAGCCCTCAAAGCAATGTAATCAGATCCATCTTTGCCC  
TTGAATTGTTCCCTGCATACTTCGAGTACATCACGTTGTTTCCCACTGCAACGGTTAGCGGTTTCCCTGTTGCCT  
TCTTCGTCCAGATGACCCGGACCAACTGCGATACCGTTCCGATGGACGGCTTCTTTTTGTTGCCTCTGTTAA  
CAATAAACCTCCAGCTGTTTTTCTCAGCCTCAGCTACCTTGATCAAAACCTGTCGTTTAGGGGCTGAAGAT

CTTTAGCGTCGTCTGTTTCTAGTATACCAACTATATCATCTTCCTTCAGGATAAGATGCTTTGAACCATTGAACT  
CTAATTCAGTTCCAGCATACTTAGAGTACACTACTTGAGCACCAGTCTTTACACTAGCTTCTACTTTAGTATTTT  
CAATTGTCTTGCCTTCACCAACCGCAACTACCTCCCCTCCTTGGGGTTTTGTCTGAGCTGTTGTCGGAAGTAAA  
ATCCCTCCATCAGTCTTCTCTTCAGCTTCCTTTATCTTCACCAACACTCTATCGCCCAATGGCTTGATTGAAGTGT  
ACTTTGGAGCAACCACAGTAGCAGCTCTAACAACCAAGCCAGTGAAAGATCTGTTAGCCAAACCCCCAACTCG  
AACATGGTTAGCAGAAGGAGAGAATTTACAGAAGAAGGACGAAGGCCACTGAAAGAAGGCAGCAAATTCC  
TCGAGGAAATTAAGACCCAGTAAATTGAGCTGCCGCCATAGGAGGTTCTGAAGATAAGAAATGGAGAAGC  
GGCACTAATGGTGTAGAAAGAAGATTGTAGAATGAGGAAGAAGATAAACCTAGCAAGTTGAAAAGAGCA

>trans\_c\_2325 AY103872|Zea mays PCO139073 mRNA sequence

CCAATGGAAATATATGTAGATGATGAGGCAAAGCTGACATTGCATGGTCTTGTCCAGCACTACATCAAATTGA  
GCGAGATGGAGAAAAATCGGAAGTTGAACGACCTTCTTGATGCATTGGACTTCAATCAAGTGGTTATTTTTGT  
CAAAAGTGTTAATAGGGCAGCTGAGCTAGATAAGTTATTGGTGGAGTGTAACCTCCCCTCTATATGCATCCAC  
TCTGGCATGTGCGAGGAAGAGAGGTTGACTCGATACAAAGGTTTTAAGGAAGGACATAAGCGCATTCTTG  
GCTACAGATTTGGTTGGTCGAGGAATTGACATTGAACGTGTAAACATTGTTATCAATTATGATATGCCAGATTC  
AGCTGATACATATCTGCACAGGGTTGGCAGAGCTGGTAGATTTGGTACCAAAGGGCTTGCAATTACTTTTGTG  
TCATCTGCAGCTGATTCTGATGTTCTCAACAATGTTCAAGAAAGGTTTGAAGTCGATATTAAGGAGCTTCCAGA  
GCAGATTGATACCTCCACTTACATGCCATCATAGATGTAGAGATCTTCACCATAGAAAATCGGCTACCCAGGTT  
GGTGAGGGGTGGTTCAAATTTCAATTTGGTTTGATTTGGTTTGAAGTGAAGGAGCTTCCAGGTT  
ACTAGCTTTTGTGCGAGTGAGGGCAATGGTGGATGCTCTAAATGTGGTGGTGTACTCTGCCATTTGAGTTT  
TATTGTATTCTAATTGCTGGGGCTGTCTTGCAATTGGAAGTCTCTTATGCATTTTATTCTGAATGACGAATGATC  
TCTTAAATGTAATACTTTAGATATCCTTCTCTCTGCAAGATTAACAATCACGGTAGACTGTTGGTAGTATTCTCT  
ATGATTTTTATTAGATTGTTACGTGAACCTCATTTACTAGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_2326 BT010538|Arabidopsis thaliana At3g62220 gene, complete cds

CCTCGTGACATGGGGCCACGCCCAAACCTTTGCGAAGATAAAGTTAAGCAGTGTGTTGATGCAAACTAGGAAA  
TGAGTACCCTCCTAAGTCAGTTGCTAAGTTTGACGAGTGGCTGCATTATGCGTTCAATACGAAGCAGATTTCA  
GACCAAACATGAGTATTGTAGTCAAAGCTCTTCAACCTCTCTTAAATGCCCGTCCTGGCCCTTGAGGTGAAACC  
ACCAACTCTTTAAATCTCTCTTTATCTCTTTACTTTTCTGTGGATTCTGTTTGTACTACTTCTTGGGTCCAC  
GTGCTGACACGTGACGTGAGGGTTCCAAATTATTACCCGGGGGTATTCAATTTTGTAGTTGGTGGTGGGTGATC  
ATCAATTTGTTTACAAAAACAGTGAGATACCATAATCATGATTTTTTTATGTCATATATGAACGACGTGTCGTC  
GTTTCTTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCCCGG  
CCCCATTCCCCCAAAAGGGGGGCAAAAAACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCCCGGGGGGGGAA  
AAAACCGGGGTTTCCCAAATTAATCCCTTTGACCAACCCCCCTTCCCCGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAA  
GCCCCCCCCCTTCCCCCTCCCCAAATTTGCCCCCAAGGGGAAGGGGAACCCCCCTTTCGGCCCCCTT  
AACCCCGGGGGGGGGGGGGGTTTCCCCAGGGGGGCCCATATTTTCGGGCCCCAGACGCCCTCTTTT  
TTTTTTT

>trans\_c\_2327 AB588747|Vigna unguiculata VuEF1b mRNA for elongation factor 1 beta, complete cds

ATCCCTTAGCCTCTAACAACCTTTCTCTAAGAGTTCTAGCGTTGCTGCCGGCGAAAGAAATCACATCAGTTCGCA  
ATGGCAGTCTCATTGAGCGATGTCAAATCGGCAGCTGGTCTCAAAAAGCTCGACGAGTACCTGCTCAGTCGCA  
GTTACATTTCTGGGTATCAAGCTTCGAAAGACGATATCGCTGTTTACGAAGCTCTCTCCAAGCCCGTTTCCAGC  
GAATATGTTAACGTATCTAGATGGTTTAATCATATCGAAGCACTCGTGAGAGCCTCTGCTAGTTTTGGAGAGG  
GTTCTGGCGTTAAGTTCGATTCAAGCAATCGCCACCCACCGGCTGCCGATGCTAAGGCTAGTGCTGATGA  
CGACGATGATGATGACGATATGGATCTGTTTGGCGAAGAGACTGAAGAGGAAAAGAAGGCTGCTGAGGAGC  
GTGCAGCTGCCGTCAAGGCTTCTGCAAAGAAGAAAGAGAGTGGAATCATCAGTTTTGATGGACATCAAGC  
CTTGGGATGACGAACTGACATGAAGAACTTGAAGAAGCCGTAAGAGGCGTTCATATGGAGGGATTGCTTT  
GGGAGCATCCAACTCGTCCCTGTTGGATATGGTATTAAGAACTACAGATAATGCTCACAATTGTTGATGA  
CCTTGTGTCGGTTGACAACCTCATTGAGGAACACTTGACAGTTGAACCCATCAACGAGCATGTTGAGAGTTGC  
GATATTGTTGCCCTCAACAAAATCTAAGATTGAACTTTTGTCAAGTCCAAGATCCTGATCATCATTCAAAGAT  
GAGGTCCGAGTCTATGCAAGAATGAGTTTTATTATTTGTTGAGACTTTATTATGCCTATTTCTTGTCTTTACTTT  
TCAAACCTTGACATGGTTCCATTTGCTATGAAGTCATATATTTTTGGTGTTGCTTCATTTTGTCTTAATGACCTCTC  
AC

>trans\_c\_2328 BT029521|Arabidopsis thaliana At4g19100 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCT  
AAAAGAAGATTAATGCTGACTACCATTTAGTTAAGTTCAACTAGATGGACTACAACTATCCTCGTTTTAGCTT  
CTCATATCACTTATAGAAAAGACCATAATATTATACGAAAAGAACCAGAGAAAAGAAAGAAAAAGAAAGAAG  
ATAAAAGCCAATTCATCTATTTCTTATTAGATCCACCCAAAATGGACTGCCAAAAAACAGGCCAATTTTTCTG  
AGCTTCATTCCAACCAATAAAGAGCCTTCCCTCATAGGATCCCACTAGAGGACACAATCCCATAGCTAACTC  
CCAAAAGAGCTGAGCCAAAGAAGAAGAACGAGACTATGACTGGCACCCATGAGGGCACATCAATCTTCAGCC  
CAACTTTGAGGTAATAGAAGAATGGGAAGAACAATAGCCCTATAACAATGGAATCCCCACCGTAAATCCCAT  
TCTACTCATCATCCTATTTGTCTTCTTCTTCATCTTCGTCATTGTCAACATCCTCCCTTCTTCTCTTTGTTTTCT  
TCATCTTCTTCTTCTTGGAGCTGGTCCGAATCCCTCGGAGCGCTCAATGTTGCATTTAAACTCGTGGGATGG  
TTCGTGCGAGTTTGGTTTTGGTTAATGGTTGGTCTAAAATTTGGAAAACAATTTCTTTCGTAGCTTTTATATGG  
ATTGAGAATTCACAATTTTTCTTAATGCGGAGTAATGGAAGGTTTGAAGGCGCAAGAGGAAGGTTGAGAGAT  
CCGGCAATGGCGGCCATGAAGGTTTGTCTATGAACTGAAATACAGTCGACTCGTCTCTTACATTTTGTATTCA  
CTATGCGAAGCAGGGACGGACGCCATGGATGAGAGCAGTGAAAGAGGATAAGGTTTTTCAT

>trans\_c\_2329 NM\_101549|Arabidopsis thaliana uridylyltransferase-related (AT1G16880) mRNA,  
complete cds

AGCATTCCACGAGCATCATCAGCTACAGCTGTTGAGGATGGAAGTAATGGTGATACTGATACAATTCCAACGC  
CCATAGTTATAATAGACCAGGACTCTGATCAAGATGCAACTGTGGTGGAGATAACCTTTGGTGATAGGCTTGG  
AGCTCTTCTGGACACGATGAATGCTCTGAAAAACCTGGGGCTGAATGTTGTCAAGGCGAATGTCTTTTTGGAT  
TCTTCTGGAAAACACAACAGATTTTCCATCACAAAAGCAGATACTGGAAGAAAAGTAGATGATCCAGAGTTGC  
TCGAGGCCATTTCGTTTGACAATTATAAATAATTTGATTCAGTATCATCCGGAATCAAGTGCTCAGTTAGCAATG  
GGAGCAGCCTTTGGAGTCATGCCACCGCAACAACAGGTTGATGTGGACATTGCCACACACATCAACATACAA  
GATGATGGTCCTGATCGAAGCTTACTGTATGTAGAGACAGCTGATCGACCAGGATTATTGGTGGATCTTGTGA  
AGAGTATTACCGACATAAATGTTGCAGTTGAATCTGGAGAATTTGACACCGAGGGATTGTTGGCTAAGGCCA  
AGTTTCATGTGAGCTATAGGGGGCAAAGCCCTCATCAAGCCTCTTCAGCAGGTTATTTCAAATAGTTTACGATAT  
TTCTTGAGGCGACCTACAACAGAGGAGGCGAGTTTTTGGAGCAAGAGAGGTAAACCAAAACCAGGATAATTA  
AACTACAAGAAATATTGTCCATTCGTGGTGTACCATTTACACCCTGTTGTTGTTGTACCATATCTTACCATAATG  
CTCATTCACTAGATTTGAACCTCAACATTAACATTGTGAATTCACAAGAATATTACGTTTGAGTTTGTGTTTC



AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_2330 NM\_112855|Arabidopsis thaliana cyclin-related (AT3G19650) mRNA, complete cds

ACGGTAATGATATGATATCACTTCTTCACCTTCCCGCGAGACGAAGCCCTAACTTCCCTCTCTTTCTTTTTTTCAT  
TCACACAAATACCTCAACGGCGCAAACCAATGTCACGTCGTGAAGCTCGGGAATCCGATTCCAAGCGCCACC  
GTTCCCGATTGATAGAGAACCCAGTCCCAAGAGGTCAAAGAGGGACAGGAAAACATTAGAGGAGAAGTTAT  
CTAGAACTCTAGTTCTTCTTGTGAAGATAATAAAGATCGGGATCAGAAACATGAGCTTCGTCTTGTGGGGCA  
AGACATGATACCGCATGAGTCTTCATTAGCACTTGAGTCTAAACCAGAAGGTGGAGCTGGCACAGGAGCAAA  
CAGGAACAGTGATGGGAGAGATGGAGGGACTAAACATTCACTGAATCCCAATGAAGTGCCACGATCAAGAT  
CTTATTTTCAGCACGATGAACGCAGTAATGCCGGGCAAGTTGGTCTGAAGCTTTGGTCTGGAGTACAACCTAGTGA  
GCGTGGTTGGTGAAGGATTCAAAGGATCCAGATAAGGATATTGATAGGAAGACAATAACTTATAAGTCACA  
GCAAAGAGATGAGAAATCACAAGCTGCGAGAGAGGATAGGCACCATGAAGGGTCTCGAACTGGAGGTTG  
ATGCACTTACTCCTGCTCGGAAAAGCCTGCATTTAGGGAGAAGAAGATTACAGTAGACAATGAAGATGGTG  
AGAAAGTGGCAATGGTACCAGAGAGTAAGAAATCAAGTGATATGCACCAGATTCAGGAGGGAAGGGAACGA  
AGAGAAGAAAGAGGCCGCGACACCCGCTATTCTGAAAACTTAATAATAAGCATGCCAATGGAGACATGGCT  
TCCAAAAGGGATGAAATGAAGAGAGTCGGCTATCCAGTGAGAGAAAAGATATGGCATGGAAGTGGTGGGTG  
GAATTACAGGGGAAGGG

>trans\_c\_2331 DQ056435|Lycopersicon esculentum 60S ribosomal protein L10 (ACI29) mRNA,  
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCCTTAAAAACCA  
AGATTCTTGATATATCCCCATCATAATAGATCGATAAAACACTGCCAGATTTAATTTGAGGTTTAATACAAAC  
AAAATATGATAATAAAGACTTGTTCAAGTGTCAAATCGACCAAAAAAGAACTGCAATTGACAAAAACGAAAT  
AACTAGCTGATCTTAGGCAGCTTGAGGTAGAAATGCTCTCCAGGTTGACGATTAGCTAAAGGCCCATGGCAT  
CCAAGAAGCTTGGCATTAAACACCATCAGGAAGAATTTGTTTTCTGCCTTGTAAGCCAGATAATCGGCCCGACT  
GAATTTAGTGAAACCCCACTTCTGCTGACAATGATCTTCTGGCGACCAGGGAATTTGAACTTGGCACGACGG  
AGGGCCTCCTGTGCATGTTGGCTGTTACTGTCCTTGACCCGAAGTGAAGAAGAACCTGACCAATGGCCACTC  
TTGCACAGGTTCTTGTGGTTTGCCAAAAGCACCTCTCATACCGGTCTGGAGCCTATCAGCCCCAGCACATGAA  
AGCATCTTGTTAATTCGAAGAACATGGAAGGGGTGCACCCTGACTCTCAAATGGAATGCGTCCTTCCAGCAA  
ACTTTGCCATATACTTGTTGCAGGCAATCCTAGCAGCTTCCAAAGCTTCACTGGACACATTTTCTCTCCCAAC  
TCACTAGGTGAACGCAAAATGGAATTCATCCACACCTTCTTTTTTATTCCAACGTCATAGATCCTGATCTTGG  
GATCGGGGACACCACGACAAAAATCTGGATTTTGGATAAGGCTTGTTTTAATTTGCCTGTAACACCTTGCAGGT  
CTTCTCCCCATGGCGTGCACTCGTTTACCTCTCCAGTCTTCTCAACTTGACCTCGTCCGCT

>trans\_c\_2332 NM\_001063710|Oryza sativa Japonica Group Os06g0221100 (Os06g0221100)  
mRNA, complete cds

ATCTTTTGTAGAGAAAAATAACGGGGGGTTTTCAAGTTCTTATGCTGCACAATCCATGGCTGAGAGGAGATG  
AGAGGAGGATGATCTAGTGGGAAGCAAAGAGAATCTGAAGGTTAATGGAGAATAAGCTGAGTTAAGGATAG  
AGGATTTTGCTGCAAATCAATTGATTGATTCCTTCTCTCTTTACTTGAACCCAGTAATGGGTAAGCAACAATC  
CTTGCGCAGCAAAGCAGTCCATTTTGTCTCGATATCACCACCGTTCTTCTTAACCAATCTCTGACAAACCTTC  
CGCTACAGCCTCTACCCATCCTCAACATCATCATTACCTGAAGATGCGACTGACCTTAAAGACGACAGTGATC  
TAGGGTCAGCTAGTGAACAGGGTTCCGAATATTCGGAAGATGGCCCTGATACATCTTCGTTTACTGCATTCTTA  
TATCCCTCCTGTCATCCTCAGAATCGCAGGAAAACTGAACTCCGATGAAAGAAATGATAATCAGGCAGAAG

CAGGCACATCAATGAACAATGCTGCAAAAGAACTGTTACGAAAAAGAGCTTGTTTTCTAGGGGGAAACAAT  
CGCTTGGTAGAGCTTTTCATCATGCTGCAAGAATCACTGGACACCGAAATCAGGATTGGAAGAGTGATGTTGA  
CTTGAAAGTTAATGATTCTAAATTTTCTGGAATTGAGATGATGGAAAAGACAAATGTAAGTGAGGTTCTTCG  
TCAGTTTTTGCCCTGATGCATCTGAACCTTCAGTGCTTCTTTCAGAAAAAACTAGAACTGTTCTTTATGCCTCC  
CTTCAGCTCTTGTCAGGGAAGGAAATGGCTTTTGCTATACAGTACGTGGAAGCATGGGACATCTCTTCAA  
CTCTATATAGGAGAAGTATGCTTTGGTCTGGATTAGTTTGCTGGTTGTTGGTGATCGGAAAGGTGCTGTATTT  
G

>trans\_c\_2333 NM\_129622|Arabidopsis thaliana appr-1-p processing enzyme family protein  
(AT2G40600) mRNA, complete cds

ACTTTCGGTCAGCTTCCATTTGACCCGCTGGCATGATTTGATGACAATCGCAGGCACTGCTTGGCAGAACAGTG  
TGTCTGTGGGCATCTCCCTTCTCCGCCGGGTTCCCTTTGCATTTCCAATCCTTCACCCTCTCTCAAATCTCTC  
CTTTTCACCTCATTTCCACGATCAACACCAAGAACCTTTGCCGTTTCAATGGCCAATGAATCCCGCAGTGGAG  
TGGTTCGATTCAAAGTGTCTCCCTCAACCGATTGCGTTATTGAGAAGGGTGACATCACAAAGTGGTTCATCGAC  
GGTCTTCTGACGCCATTGTCAATCCAGCAAATGAGGTAATGCTTGGAGGTGGTGGCGCTGATGGAGCCATAC  
ATAATGCTGCTGGGCCAGATCTTGTACGAGCATGTTATTCTGTCCAAGAAGTCCAACCTGGAATCCGTTGTCCA  
ACTGGAGAAGCAAGGATTACGCCAGGTTTTCGGTTGCCAGCATCTCATGTAATCCATACTGTTGGACCTATCTA  
CAACGCCAGTAGAAACCCCCAGGCCCTACTGAGAAGCGCATATAGAAATTCCTTGGCTGTGGCAAAGGAGAA  
TAACATTCAATATATTGCATTTCTGCCATATCCTGTGGTGTATTTGATATCCTTACGATGAAGCTGCCACAAT  
AGCCTTATCTACCATTAAAGAGTTTTCCAGGGTTTGAAAGAAGTGCACCTTTGTCCTTTATGCTCCTGATATTTA  
CAATGTTTGGTTGGATAAGGCAAATGAACTGCTCAAGAACTAGTGCAGGCTGCGTTGGTAATTGTATCATTCA  
CCTTCGCCCTTTAACGCTTGTGTCGTATTCATCTCAACAGAATTATGCTTTCATCAAATTATCTGAAGGGGCT  
ATTCAATAAACTTTGGATCGTTTCTACAATGTAGAAGATCTTTATAAATCTAACTGCTGATAGCTTG

>trans\_c\_2334 XM\_002873107|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase/ transition metal  
ion binding protein, mRNA

AGAGTTTCCCAGGACGAGACTATGGCAGACGAGACCTTGTTGAAGCTGCGCTTCGAGTCCTCAATACTTCCG  
ATCCCTTCGAAAAGGCCGGACTAGGCGATAATGTAGCTTCTCGATGGCTTAACGGTGCCATTTCAAGCCTTTAC  
GATCCCTCTGCCGACCTTCCCGTCCCCGATCGCCCTGCCAGGCTTTCCAATGTTAAGTTGGTATCGCCGAGTCT  
CATGCCGAAGCTGGGGAAGGCGGGAAGCTTACAGAGCAGGCAGGCTATTGTGCATAGTCTAGTCCACACTGA  
AAGTTGGGCGATCGATTTGTCGTGGGATATAATAGCTCGGTTTGGAACAAGAAGGAATGCCAAGAGAATT  
CTTCACTGATTTGTTAGGGTAGCTCAGGATGAAGGTAGGCATTTTACTCTTCTGGCTGCACGGCTTAAGGAA  
CTGGGCTCTTTCTATGGAGCACTACCTGCGCATGATGGCCTTTGGGATTCTGCTATTGCTACTTCCAAGGATTT  
ATTAGCACGCTTGGCAATCGAGCATTGCGTTCATGAGGCTAGAGGGCTGGACGTGCTTCCCAACCATTTAC  
CGGTTTCGAAATGGAGGTGACAATGAGACCGCAGATTTGCTGGAGAAAGTAGTGTATCCAGAAGAAGTGACC  
CATTGTGCTGCTGGAGTAAATGGTTTAAATATCTTGGCAGAGGTCAATGGATAGGAAGTTGGATGAGGAT  
GATGATGGCGCAGAGGATAATGCAATGGAAATGGAGAAGGAAGAAACCATTAAGTTTCATGAAGTTGT  
GAGAAAGTACTTCAGGGGGCCATTGAAGCCACCTTTTTCATGAGTGGCTAGAAAAGCTGCTGGTTTTGGCCCT  
CAATGGTATGAACCACTTGCTTTCAAAACAGATTCTACCTTCCATCCACAATGAGGGGATGGAGCTGAAGTTCT  
TTTCAAAC

>trans\_c\_2335 EU373003|Gossypium hirsutum gland development related protein 10-like mRNA,  
partial sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTAGAATAAAAAAGCTTTTATTTTAAAGAAAAATTATAA  
ATCCCAATAAAATTCACATACCAGTTCCCTTTGCCATAAGTTAAATAAATGATACCCAACAAAGATAAAGCTAC  
AAGCTAGACTTGAACATAAGACTATCTATTCTATATGTACTTTTCTGCCATAATCAGAACAAGTCTGAACCCAC  
GAATAATAGACCTTCATTATTTTAAACCATAAGGGAAGAAAAAAAAGGGGAAAAAAAATAAGAGAACTAG  
GAACTGCTCTTGTTTCTTCACAGTGCTGACTGGAAAATCATCTCAGCAAGTTCCTGCTTGGCAGAAGGAACCTT  
TGGCTCTCCCCATTCCAAGGCCTTCTTCTCAAGAACTCAAAATCAGCCTTACCAGCCTCTGTGTGTGCACCAAT  
CTCAGTGTCGAACTCTCATATCTCTTACGAACAAGCTCCGTAAAGAACCATCCTCAAGTAGTTTAGCAACAT  
TTCGAAGACCACGGGCAAGGGTGTCCATTCCACCAATGTGAGCGATAAACAAATCTTCAACATCTGTGCTCTC  
TCTTCGCAATTTTGCATCAAAATTGAATCCACCAGGTGCCAATCCGCCATTTCTCACAACACTGAGCATAACCAT  
AGTCGCCTCTGAGACGTCCATCATAAATTGATCAGTATCCCAACCAACTTGAGGGTCACCAGTGTTGCGATCAA  
TGCCCTTAAGAATCCCATTGAGCCTTGACGTTTCAAGATCATGGTGGCAACTGTGACCCGATAGGGTGACATG  
ATTGCATTCAATGTTAAGCTGAAAATCATCAATAAGACCATACTTCCGCAGGAAATTAGCAGATGTTGCAGCA  
TCCCAATCATACTGGTGTTTTGTAGGCTCTTGGGGCTTGGGTTCAATTAACAATGTTCCATTGAAT

>trans\_c\_2336 NM\_001058886|Oryza sativa Japonica Group Os04g0274400 (Os04g0274400)  
mRNA, complete cds

ATGTTCCCTTCTTTCACCTCTCACCACGCGTGGCAAGGCAGTACGACTGGTCAATTGAATCGGTGATTTTGCAG  
GCTGCCGCTATGGACTAATCGTTAGGGTTTCTGTTTAACTTTGAATATCAAAAGTATTTAGAAATCAGAAGA  
CATTTAATTCAGTATTAACAAAAGTTTATTAAGATGGAGCCGGAGGTGATAGAAGCAGAGTTAGTGTTGCCG  
ATCCACCTTAATTTCAAACGAATTCAAATGTACGAAAAGTATCCTAAAGGCCAATCTAGAGGCAGGCACTGGA  
AACATTTGAAGCAAATTTCTCAAGCCGAGAACTATAACAATTACTCCCCTGATGAACCCAACTATGTTAATATT  
GAGTCACCTCCCTCAATGCATCCATGCAAGAGAATTTGTGATATAACAGGATATGAGGCACCATACTATGACC  
CTAGGACTACCTTCGATATGCAAATGCTGATATCTTCAAGGCCATAAGATCACTTCTAATGAGTACGTCCAG  
AGGTATTTGGCCATGAGAAATGCAGCGGTAGTTTTAAGGTGAAGATATACAACACTTCTGTCGTCGTCGACTT  
GCAACCTTCGAGGATACGAAGTGAAACCATTAAAGCTTTCCATGTGGTCTGAAGATGCAAAGAGAAACCTGTC  
AAGTAAGCTCAAAATGTATCATATGTCTATTTATTCTATCATTTTGTGTATTTAATTGTCTTTCAATTCATGTT  
GACTTGGTATTTGTTAGCAAAAAGTTGAGTCGGTTACTTAGAAATCTCAAGGCTATCAAACAACCCTAATTGGAT  
TGTAAGTTGAGAAAAATTTAAGGTATATTTACGATTTTTTAAGAAATTGACGTGTTTGATACTATTTCTATTTTT  
CGTTTCAAATTTTAATAAATGTTTCTAAAAATTGGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2337 NM\_104178|Arabidopsis thaliana cytidylyltransferase family (AT1G53000) mRNA,  
complete cds

AATAGAAAGGAAAAAAGGGGGAAGCAACAGCCAACAGCCCAATTTCCCATCGGTGCAATAGCGAGCTCTTT  
TCTTAGCGGGAGACCATGTCGGTTTGTTCTTCTTCTTCATCTTCATCATCCGTTACCTCGGCAGTGCCAAGGCC  
TGGATTGTTCATAGTATCGTCGCCGGAATCGCTATCGGTGCCGCCTTCGGAGCTCGATCTTATTTGGGTGATC  
CAAGAGATTCGCTAGCCGCGTTGTTGGAATCATTCCC GCCCGCTTTGCCTCTTCTCGGTTGAGGGGAAGCCTC  
TCGTTGAGATTCTGGGAAAGCCCATGATCCAGAGAACATGGGAAAGGGCGAAAATGGCTACTACATTGGATT  
GTGTTGTTGTAGCAACCGATGATGCTAAGATTGCACAATGCTGTAAAGGATTTGGTGCGGATGTTGTAATGAC  
ATCAGAGTCTTGCCGGAATGGGACTGAGCGTTGTAATGAAGCACTTCACAAGCTTGAAAAGAAATATGACAT  
CGTTGTAAATATTAGGGGGATGAGCCTCTTATTGAACCAGAGATCATTGACGGCATCGTTAAAGCTTTGCAG  
GCTGCCCCGGATGCAGTGTTGAGCACTGCCGTGACATCCTTAAATCTGAAGATGCATTGATCCCAATCGGG  
TGAAGTGCGTAGTGGATAGTCGTGGTTATGCTATCTATTTTTCAAGAGGACTGACCCCTTCAACAAGTCAGG  
AAAGGTCAACCTTCAATTTCTTATTTGCTTCATCTTGAATCCAGAGCTATGATTCGAAATTTTTAAGTATTTA  
TCCTGAACCTCGAAACAACACCATTGCAACTAGGAGGAGGAATTAGAACAGCTAAAAGTATTAGACATGGCTA

GATGCTTCAATTCTTGCAAAGCCCTTCCTCCACTCCAACAAGACTCTTTCAAACCTTCATACGTTTTCCCAAATCC  
AAAATTTTCCATTCTTCTCAATTCCAATCCCAAATCGCCCTGCAACCACAGTTTCAATGGCGAATCTCTCCCC  
GACACTACTTCCAAAGGATCCATCACTCACGTTATCTTTGATATGGACGGACTCTTATTGGATACTGAGGGGTT  
TTACACTGAAGTACAAGAGAGAATTCTGGCTAGGTATAATAAAACGTTTGATTGGTCACTTAAGGCAAAGATG  
ATGGGTAGGAAAGCTATAGAAGCTGCTCGGGTCTTTGTTGAAGAGAGTGGGATTAGTGATTCTCTTAGTCCG  
GAGGATTTTCTTGTGGAAAGAGAAGACATGCTACGAAGTTTGTTCCGCAAAGTGAGCTTATGCCAGGAGCTA  
GCCGGTTGATCAGGCATCTTCATGCAAAGGAGTACCATTTGGCTGGCCACCGGATCTCATAGACGTCATTT

TGAATTA AAAACACAAAGACATGGTGAAC TTTTAAAGTTGATGCATCACATTGTTCTTGGTGATGATCCAGAG  
GTTAACAAGGGAAACCATCTCCGGATATATTTCTTGCAGCTGCTAAAAGATTTGAGGATGCTCCTGTGGATC  
CGGAAAGAACCCTTGTTTTGAAGATGCGCCCTCAGGTGTTCTTGCAGCTAAAAATGCAGGAATGAAGGTAAT  
TATGTTCCAGATCCAAGGTTGGATAGTTCTCATCATGGCAATGCAAATCAGGTATTGAGTTCCTCTTGATT  
TCAACCCTAAGGAATGGGGTCTGCCTCCTTTGAAGAATCAGAAAGCTAAGGCCCTCCATTGGGGTCATGTT  
GCTGAGATACAAAACATCATTTCTAACAGAAAGGTAGATTCTTTTATTCAACATTTCAAGAGAAGGGTCCC

>trans\_c\_2341 NM\_126335|Arabidopsis thaliana APK2B (PROTEIN KINASE 2B); ATP binding /  
kinase/ protein kinase/ protein serine/threonine kinase (APK2B) mRNA, complete cds

AGCTTGGAGAATCATCTCTTCAGAAGGGGTCCCAACCTCTTCTTGGGCATTGAGGATCAAAGTGGCTATAG  
CTGCTGCCAGAGGGCTTTCCTTCTCCATGAAGCCGAATCGCTGTTATATATCGCGATTTTAAGGCATCTAAC  
ATCCTACTTGATGCGGAATTTAATGCAAAGCTTCTGATTTTGGTTTGGCGAAGGCTGGTCCAACCTGGAGATA  
GAACTCATGTAACACTCAAGTTATGGGGACCCGTGGCTATGCTGCACCCGAATATATTGCTACAGGTCGACT  
GACATCCAAAAGTGATGTTTATAGCTTTGGAGTTGTGTTGCTCGAATTGTTGTCAGGTCAACGTGCTGAGGAC  
AATCTTGTTGACTGGGCAAGCCCGTATTTGGGTGATAAAAGAAGGTTATTCCGAATTATGGACACCAAACCTCG  
AAGGACGATATTCTAAAAAAGGAGCTTATGTAGCTGCAAATTTAGCTTCACAATGCCTTAGGAATGAACCAAG  
GGCCCGACCTCGAATGGCAGAAGTTTGGGTGCATTGGAGGAACTTGAAACCCCAAACTCCAGCTAGAAT  
CTCACATTCAGTTCAACATACTCTACTTTGTCAAACCTCAAACACTGATGGGTCTCTTTCGACACCGCATCAGAA  
GTCACCACAACAATAATAATGAACATGTATTGTATAGAGCCTTCTAAGATCTGAGCTGGGTAAAAATCTTTCAT  
AACGTCCATGCTACTGCCAAATATTGAGTAACTTTGTTTATATAATGATTTTAGTTAACGAAACATAGAGGAA  
ATTGAATAGTTTCTTAAGTAAGTTTAGAGTATCAACATGTATAACACAATACAAAATTGCAGACTAATATAGTT  
CCTTTTGAATTCTTTAAAAATGATGCAATATACACAATTATTAATCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2342 NM\_102222|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, zinc-binding dehydrogenase  
family protein (AT1G23740) mRNA, complete cds

ACCCGTCGATGGAAACGGATGCTCGGGAAGTTCAAGGCCACTGATTCTCCTCTTCCGACAGTTCAGGATAT  
GATGTAGCAGGTGTGGTGGTGAAGGTGGGAAGTCAGGTAAAGGAGCTTAAAGAAGGGGACGAAGTATACG  
GCAACATCAACGAGAAGGCTCTCGATGGCCCCAACAGTTCGGTTCTCTTGCAGAGTACACAGCCGTAGAAG  
AGAAATTGTTAGCCTTAAACCCAAGAATATTGATTTATTCAAGCCGCTGGATTGCCTCTTGCCATTGAAACA  
GCCTATGAAGGCCTTGAAAAAACCAACTTCTCTGCTGGCAAATCAATCCTCGTTCTCAACGGTGCTGGAGGAG  
TTGGTAGCCTAGTCATTAGTTCAGTTAGCAAAAAATGTATTTGGAGCTTCAAAGTTGCAGCCACTGCTAGCACTGG  
GAAGTTAGAGTTTTTAAAAAGTTTGGGTGTGGATTTAGCCATTGACTATACCAAGGAGAACATTGAAGATTTA  
CCCGAAAAGTTTGACGTAGTCTACGATGCAATTGGGCAGTGTGATAAGGCAGTGAAGGTAGTGAAAGAAGG  
TGGCAGCGTCGTAGCGCTGACCGGTGCGGTGACACCACCTGGTTTCAGATTTGTGGTTACTTCAGATGGAGCT  
GTTCTAAAGAACTGAACCCCTATCTAGAAAGTGGGAAGGTCAAGCCGATTGTGACCCAAAAGGACCGTTTC  
CATTCTCCAAGTCGTAGAGGCCTTCGCATATGTTGAAAGCAGCCGAGCCACTGGAAAAGTAGTCATACATCC  
AATCCCATGAGGGCATTAACTGTGGAATTTGTGAGAAACCTTCCCAATCTTGTTCTACTCTGCAATGGCTAT  
GTAAC TTTTAGAATTATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2343 AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

ACCGTAGTAATTCTAGAGCTAAAACCGAATTGTTCCATTATTACTAAAAGAATAGACTAAATATTAATCCTTTC  
GCCAAGATAATCCCCTCAAAGGGGAGGTCCGTAGCATAGTTTTTTTTTTCAGTGAATAAAGTTACATAGTGTCC  
TATTTTTCTTGATAAAGGGGTATTTCCATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGTTCATACCGTTGTATTGAATGATCC

CGGTCGTTTGCTTTCTGTTTCATATAATGCATACAGCTCTAGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCAATGGCCCTATACG  
AATTAGCAGTTTTTATCCCTCTGATCCTGTTCTTGATCCAATGTGGAGACAGGGTATGTTGTTATACCTTCA  
TGAATCGTTTAGGAATAACCAATTCATGGGGGGGTTGGAGTATCACAGGAGGGACTATAACGAATCCGGGTA  
TTTGGAGTTACGAAGGTGTGGCCGGAGCACATATTGTGTTTTCTGGATTGTGCTTCTAGCAGCTATCTGGCAT  
TGGGTGTATTGGGATCTAGAAATATTTTGTGATGAACGTACAGGAAAACCTTCTTTGGATTGGCGAAGATTTT  
TGGAATTCATTTATTTCTCTCAGGGTTGGGTTGCTTTGGTTTTGGTGCATTCATGTAACCGGATTGTATGGTCC  
GGGAATATGGGTATCCGATCCTTATGGATTAACCGGAAGGGTACAAGCCGTAAATCCTGCGTGGGGTGTCTGA  
AGGGTTTGATCCTTTTGTTCGGGCGGAATAGCCTCGCATCATATTGCAGCAGGTACATTGGGCATATTAGCG  
GGCCTATTCCATCTTAGTGTTCTGTCGCCCCCAACGTCTATACAAAGGATTACGTATGGGAAATATTGAAACCGT  
CCTTTCCAGTAGTATCGCTGCTGTATTTTTTGAGCTTTTAGGGCTATCGATACGATAGTGCCAAATCC

>trans\_c\_2344 NM\_001056444|Oryza sativa Japonica Group Os03g0309000 (Os03g0309000)  
mRNA, complete cds

CATGCATTTTTTCATTGGAAATGCTATTCCAGGACGGTTGTATGGTGGGAACAATTTAGACATTGGAAGTGA  
GGTGACAGATTGGACATTTGGTGGACGTGTATGCTTGAATCCTCATTGTAGATACTTAGATGGAATTGGCC  
CATCTGGAAATGATTCAAGTGCGAAGAACGACTGGAAAGGTGCATGGTGGCACAGCAGCTTTTCCCATCATTC  
AGGTTTCGTGGAGGAAGATAGTCCATATTCATCAGATAACCAAAAGGGTACTTATTATTTGGAATTCTCTAGGC  
CTTTAAGAACCTCGGATCGTCTTCAACAGGATGCGCAGTTTGTATTGGTGGATCAAGTAAGATGTCTGGCTGC  
ATTTTGGTATCCTGTGGATGGGAAGCCATGGCATGGCTCTGGACACTATTCAATCACTGCGATTGGACATCTT  
TAGATTTCTATTCCAGTAGTTCAAACTGACCTCATCGTCACATGGGAGTGGCTCGGGGAGCACTGCGAGTAT  
TTTTGCCCTCTGATCTCAGTAATCTCTTTGTGCCTCTCTGTTGTTGTGTACAGACTTTTCAGACCCCCAAAGT  
GTGGCTGTTGAGTACACAGTTCTCAGACCTCAAATGTGGCTCTTACATCCATGGACAACAACAACCACCCTTA  
GAAGTGAGTGTTTCTTCTTTTGAATTGTATTATCGATCAACTTTCCTCTTCGCAACTTGTTGTTCTTTACAAAC  
TTTCCACTTTCTGCTGTTCTTTGTGGGGCTAACAGGTTTTTTATTATGAGGTTTTAATTGTTGGTTTATTATAAGA  
TGTCCACTTTGGGTTGTGCCATGTGGGTGTAGGCTGTTGTTAAGTTTAGATAGTAATGGAAAGTTGTGTAT  
GGATTGATATCGTGATATCGTGATTCTTTTCTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2345 DQ224371|Glycine max glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase B subunit  
mRNA, complete cds

ACGACAATGAATGGGGATACAGCCAAAGAGTTGTCGACTTGGCTCATTTGGTGGCAACCAAATGGCCGGGAG  
CGGGGTCTGGGAAAAAGTGGAGATCCACTGGAGGACTTCTGCCAGACTAACCCAGCTGACGAAGAGTGCAAA  
GTTTATGAAGCTTAGGCATCATGTGTCTCGCTGGCTGCTTAAAGTCTAGGCTGTTCTTGTGCATTACTGTACAA  
TGTTTGTGTTGAATTGCAATTCAAATTCAAGGAAGAGATTGAATCTATCCATTTATAAAATTTGAAGGCAGTG  
TTCTAAAGCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCCCAAAATTTACAAAACCCCCCCCCCAAGGG  
GGGCCCGGCCCCCATCCCCCAAAAGGGGGACAAATACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTAAAAACCCCC  
GGACGGAAAAACCCCGGGGTTTCCCAATTAAACCCCTTTGAAACACCCCCCTTTTCCCAGGGGGGAAAAA  
AAAAAAAAGCCCCCCCCCATCCCCCTCCCAAAATTTCCCCCCCCAAAGGCAAAAGGGACCCCCCTGAAT  
CGCCCCATAAACCCCCGGGGGGGGGGGTTAACCCACCCGGACCCCTAACATTTGCCGCCCCCTAACCCCC  
CCCCTTTTCTTTTTTCCCTTCTTTCCCCCACATTCCCGTTTTCCCGAAAAATTTAAACGGGGGGCCCCC  
CTTGAGGTTCCAAATTTAGCGCTTTCGCCCCCTCCCCCAAAAAATTAATTAAGGGGGAGGTTCCCCAGGG  
GGCCCC

>trans\_c\_2346 XM\_002872414|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata short-chain dehydrogenase/reductase family protein, mRNA

AATTAGAATGTGCTACGAAAGAAGAAAACGTGGCTAAGTCTTGTTCACTCCTTCAACTCCAACGGTTTCGGA  
GTCTACTACGGACCTTACCAACTCCATAATTCCCCCATTAATATGGAAGCTGCAACTCTCCAGCTTCGAATCCAC  
ATCTCCATTGGAACACTCGCAATGTTTCTTCTCAAGGCATGGAGACTATCAGCTTTTGGGGTCTATGGCTACCT  
CAACTTCACCAAATCTGCATTCAATTGAACATTCTAAGATGTTCAAACCAGAGGATATGCAAACGAACATTGAAG  
GGAAAAATTGCATTGTTACCGGAGCGAATTCCGGGATTGGATATGCAACTGCAGAGGGTTTAGCATCACGTG  
GAGCTACTGTCTACATGATATGCCGCAGCAAGGAAAGAGGAGAAGCTGCTCTTCCGAGATAAAGTCTAAAA  
CAGGAAACCAAATGTTCAATTTGGAGGTCTGTGATCTTCTCAATCAGGGACATTAAGTCATTTTCTCAAAT  
TTTATTTCAAAGAATGTCCAGTCCACGTTCTGGTTAACAATGCTGGATTGCTTGAGAAAAATCGGATTACGAC  
GTCTGAAGGGTTTGAATTGAACCTTGCTGTGAATGTTTTAGGCACTTATGCAATGACTGAATCATTGTTGCCAT  
TGCTGGAGAAAGCTGCACCTGATGCAAAGGTCATCACAGTTTCTTCTGGTGAATGTATTAGTTCCCTTAACC  
GATGATCTGCAGTTTAGTGAAGACCAATTTGATGGGGCCATACAGTATGCACTTAACAAACGAGTTCAGGTGG  
CTTTAACAGAGAAATGGGCAGAGATGTACTCTAAAAAAGGGATTGGATTCTACTCGATGCACCCCGTTGGG  
CCGAAACACCCGGAGTGACTAAATCTTACCGAGTTTCTCTAAATCTCTCTCGGGGAAGCTAAGAACGAGCGA

>trans\_c\_2347 AF033562|Canavalia lineata ornithine carbamoyltransferase (OCTase) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TGTTTTTGGTCACCAGGATATTCTTGATTTAGCTATATATTCCACCGTGCCTGTAATAAATGGTCTGACGGATTA  
CAACCATCCATGTCAAGTAATGGCCGATGCACTCACTATGATTGAACACATTGGCAAGTTAGAAGGAACTAAG  
GTCGTGTATGTTGGAGATGGAAATAACATGGTGCATTATGTTGTTGTTGGCATCAGTTGTACCCCTCCACTT  
TGTTTGTGCGTGTCTAAAGGTTTTGAGCCAGATAAGAATACAGTTGAAAAGGCCCGACAAGCTGGAGTTAG  
CAAGATTGAGATTACTCATGATCCCAAGGAAGCAGTGAAAGGAGCTGATGTTGTATACTCAGATGTCTGGGC  
CAGCATGGGACAAAAAGAGGAGGCTGATTATCGGCGTCAAGTGTTTCAAGGCTTCAGGTTAACGAAGAGCT  
GATGAACTTAGCAGGTCCAAAGGCTATTTTCATGCATTGCCTACCAGCAGAGAGAGGTGTAGAGGTAACAGA  
TGGAGTAATCGAGGCTCCAACTCCATCGTCTTCTCAAGCTGAGAATCGAATGCATGCACAGAATGCTATA  
ATGCTTCATGTTCTTGCTTATGATTGTGTGTCAGCATCTAATCAATGCAATTTGCCATTTCATGTTTCAATAATA  
CTATGCCAAAGTTGGCTTCTGATTCTCTACCCACTTTTTGCACTTGGAATTTGCCACCACCCTCCCCTTTTGCTT  
TTCTTGGTCGAAATGTTATGACCTAAGCACTTGTTTCTTCACATGCACCCTCTACGCAATTGGTTTTTCTAGTA  
CAACAAATCTGAGGAACTGAATCTCCAAACCCTAATCAAACATATTTTTATGCTATCCCCATAATTATCTCAGC  
AAATACAAGTATTAGTACAACAATACAAAATGCATTCCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2348 NM\_001049925|Oryza sativa Japonica Group Os01g0575500 (Os01g0575500) mRNA, complete cds

ATACTTGTGTGGCAACCGTTGGTCGTCGCTCTAGTGCAGTTCTATGCATGGAATATGATGACTCTACGGGAAT  
ACTGGCTGCTGGTGGTAGAGATACAGTAGCAAATATCTGGGACATCCGTGCTGGCCGGCAAATGCACAAGCT  
TTTAGGTCATACAAAATGGATACGCTCAATAAGAATGGTAGGAGACACCATAGTTACCGGTAGTGATGATTG  
GACCGCTAGATTGTGGTCTGTTTCTCGAGGAACATGTGATGCTGTTCTGGCATGCCATGCTGGCCCAATCTTG  
GCTGTGAGTATTCTGCACTGGATAAAGGAATAATAACTGGTTCAACTGATGGACTTCTCCGTTTTTGGGAAA  
ACGAGGATGGGGGTATTAGATGTGTGAAGAATGTCAACATTACAGTGCTGCCATACTGTCAATCAGTGCTG  
GGGAACATTGGTTAGGAATTGGAGCGGCAGATAACTCTATGTCTCTCTCCATCGGCCACAAGAGAGACTCG  
GAGGCTTCTCTAACACGGGTGCAAAAATGGCTGGGTGGCAGCTGTACAGAACCCCAAAAAGACTGCAGCCA  
TGGTACGGTGTGCAGCTTCAGACCTCGAAAGGAAACGAATATGCACTGGTGGTCGTAATGGCCTTCTAAGGC  
TCTGGGAAGCAACGATCAACATCTGAGGCAACATTATCATTTCATCTTTCAATTTGCATCATCAATTCATGCGGA

AGTATGATTCAAAGAGTTGGCTAGCTTCACCTAAAAAGTATACTTGGTTGATGTAATATTTTCAGCGGTGAAAT  
GTACAGAAAAGTGAGTGCTCATTACAAGAAGGTGAAGCCAACCTCATGGAATGGAGAAGAAAGTGAATCAA  
AGCCCCAATATCAAGTGATTTTCTGTTTGGGGTAATAGCAGATGTGGAATTTTGCAATCACCGGCTAAGTATGAT  
TAAATTAAGGA

>trans\_c\_2349 FJ913890|Carica papaya truncated hemoglobin mRNA, complete cds

AATCTAGCTTAACCATCAAGTCACCAACCTTAGAAGCCGCTCCACTTCAAGGGAGAGAAGATGCAGAGTTTGC  
AAGATAAGGCTTCCGAGTGGAGCGGAGTGAAGCGCGAAGATGCATTGCGCATCGACGAAGTCAATTTGTTTC  
AGAAGTTAGGTCTCCAGACGTTTCGTCACTCTATCGACCAAATTCTATAACAGGGTGTATGACGACGACGAGGA  
GTGGTTCCGATCAATTTTTGGGAATTCGAAGAAAGAGGATGCAATTCAAAATCAGTACGAGTTCTTCGTGCAG  
AGAACGGGAGGTCCGCCTCTATATTCTCAAAGAAAAGGTCATCCAGCTCTTAGGTTCGACATCGACCATTCC  
CAGTAACGCATAGAGCAGCAGAGAGATGGTTACATCACATGCAACTAGCATTAGACGAAACCCAGATATAG  
ATGCAGATTCAAAGTCAGAATGATAAATTTTTTCAGACACACAGCTTTCTTCTAGTGGCTGGAGATGAGAT  
GAAGAATCAAACCTACAACTCAATGCAAGCATGGTATCCAGCAATCTGCTGCGCCGTAGACATTCTAGAAC  
AGAAACATAGCTTACACACAAACAAATAATTATGAAGCAGAAGATTGTTGGATCTAGGTGATTCTTCGTGTAT  
TTCCATGTCCAACCTGACCTTTAATCTTTATAACGAAGGGAGGTATCTCCTCAATTTGACTTGAAATGAAGGCAG  
CTTATTTTCAAATGGGTAAATCAAACCATTTTGTAAATATGATGCAATTATATTTTCATTTAGGTGCCTTTGGTT  
GAAATTCAATTGTGTTAGGTTTTTGTCTTTGACTCAAACATGTGATTGTCTATTAGGATTTGTGTTTATTTACTT  
CATTTTTAAAAGTCAACGAATACCGTCTAAATTGTTTAAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2350 NM\_124152|Arabidopsis thaliana GAUT4 (Galacturonosyltransferase 4);  
polygalacturonate 4-alpha-galacturonosyltransferase/ transferase, transferring glycosyl g> (GAUT4)  
mRNA, complete cds

GGTGGTATTTTTGGATGATGACATAGTCGTGCAGAAAGACCTTACTGGCCTTTGGTCTCTTGATCTGAAGGGG  
AATGTAAATGGGGCAGTGGAGACTTGTGGAGAAAGTTTTACCGTTTTGATAAGTATCTTAATTTCTCAAATG  
AGCTCATATCAAAGAATTTTGACCCTCGTGCTTGTGGCTGGGCTTATGGGATGAATATATTGATTTGGAGGA  
ATGGAAGAGGCAGAACATAACTGATGTATACCACACATGGCAGAACTCAACCATGACAGACAATTATGGAA  
GTTGGGAACCTTGCCACCGGTCTAATAACATTCTGGAAGCGCACACATCCTCTTGACCGATCCTGGCATGTTT  
TAGGCCCTTGATACAACCCTAGTGTCAACCAAAGGAAATCGAACGAGCTGCCGTACATACATTACAATGGAAA  
CATGAAACCTTGGCTGGAGATAGCAATACCCAGGTACCGTAACTATTGGATGAAGTATGTTGATTTCAACCAC  
GAGTACCTTCGACAATGCAATATTAATCCATAACAAAGGGACCGACCTCAAAGCTTTCTTCTGGTAGCAACAG  
ACTCATATTTCTTCAGGTGGCATTCTTTCCCTTCTTTGTAAATTAGTCACTTTTAGGTCAATTCTTTATGTAG  
AGATTTTTTTTTTTTTCACTCCTTAAATTTAGATCCTGATGAGCGAGTGAATCATATTATCAGTTACCAGTTAC  
TATTTTAGTATTTTGAATGAAGTGTATTGGGGGTAAGTGGGATCTCAGATGTAGCTCAGTTTGTAATGATTG  
AGAGTGTTTTGTTTTTCTAGAAATTTACCCGGTGGTAAACAGGGTAAGAATTCTCCTATGCAATGTAATGTG  
TACATTAAATTTTGCTAATAAGAAATATAATTGTGTTATTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2351 NM\_114802|Arabidopsis thaliana Got1-like family protein (AT3G49420) mRNA,  
complete cds

ATCGTTCTGAATTTTGGCAGTGGCACGTGCCTGCATTGCTCTCCTCCACACCACGCGAACCGCCGCCACCAGC  
CGGTCACCTGCAATCCGAACGCCGGCCATTTCTGCACGCGAACCGCGCCGGCCATCTCTCCCTCAATCTGCTT  
CAAGTGAAGGCAGGGAGGTGAAATAATAGTTTTCGGCAGATATGGTTTCCTTCGAAATGAATGACCGCAAGA  
AGATTGGGCTAGGACTTACAGGATTTGGGGTATTTTTCTCATTCTCGGAATTGTCTTCTTTGACAAGGGA  
TTACTTGCTATGGGAAATATCCTGTTCTTCTCAGGAGTAACTCTCACCATTGGACTCAAGTCAACCATGCAATTC



TTTATGAAACGTCAAAATTTTAAGGGAACAATTTCTTTGGTTTAGGGTTCTTCTTTGTTATCATAGGATGGCCA  
ATCTTTGGCATGATATTGGAAGCATATGGTTTCGTTGTCCTTTTCAGTGGCTTCTGGCCAACTTTGGCAGTCTTT  
CTTCAGAAAATTCCTGTTCTTGGATGGTTATTTACAGCAACCATATGTCAGATCGTTCTTCGACAACTATCGGGG  
TAGACGTGTACCTGTTTGAGCCAGGGATGTTATAAAATTGGTTTGAGGTGAACTTGTAAGTTGTAAACCACT  
CTTGCTTGAAGACCCAGTCTTTTGTTTCAGATGGGGAGAGTAGATAACACTTCGTTGGCCGTTGATAATGATG  
AGAATGAGATTGCTTTGTTATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAATAAAGGAAAAAGAAA  
AGAAAGAAAGAAAGAATTAACAAACAAACAAACAAACACAAACTCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTGGT  
TTTTGATAATTCATTTGTGTAAAAAGTACTCGTGACGTGTAGCTGAAGATTCTATAGTTTTTAATTT

>trans\_c\_2352 BT026023|*Arabidopsis thaliana* At1g18030 mRNA, complete cds

AGAGTCTTATTACTATTTTAATGTTTTAAATTACGGAGATGCTCAGTTGGTATTTTGTGTTGATGACATTGTTTAT  
TTCACAACATAATCTTGAATCTAATTTACAAAATAACCTCTCTCTAATTATATCTTCATTGCTATCAATCTTTA  
CTCAGTGAAGGTGATAGATACCATAACAACATTGACTTGTATTTTGTGTTGAAGACATCGTTTCGCTGTGTTTCAGT  
GACTTGAGCATAAAGAATTTGAGCGTTATATAGATGTACAACCTCCATTGCTTTCAATTTTTACTTGGGCCATCT  
GTTAGTTAAATTTTCGTGAGAATCATGGTAAGTTGTTTAGTGTATTAAACACTCATGTTGATCAAGTATTACA  
AAAGATATCCTTGTTGAACAGGATGGTTTGTCCGTAGCATCAATAAGTCGACGTCTTGTAAGGGAAGCAATCC  
GTGAGCGACGCTGTAAAGATAACTGTACTGCAATTGTCATTGTGTTTCAGGCCCAAATGATAAGGCAAAGGAA  
TAATTCAGTCTGAGATTTCTGTTTGACTAGTGCTGTATAAGCGAGCTCTCAAGATGCCAACTTTTTGTACAA  
GTGGACTGCTTAGCGAGTTTGTGGAATCCCAAGAGTAAGAGGTATGAAGTATTTGAAATGATGTGGAAAC  
AGTGACACACCAAGTGTATAAATTTATGTGCAACTTCAGTTTCAAGATTTTGTAAAGATACTGATGTTATTACCTC  
CAACAATATTGTGCAAGTAAAGATTTCTTAGTTGTTGTATGTTGGTGGAAATATTTATGAACACAACCTATAG  
TGTTGATTTTCATGCTTAGATATGTATTCTTGTCTATGACCAAACAATCAGGAGTGATGATTTTCATGATTGGAAC  
TCAATGATATTCAATAACTAAAATAAATTCAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2353 AY110078|*Zea mays* CL35146\_1 mRNA sequence

CACCCATTACCTGATACTTCTAATTCCGCCGAATCTGGGGACAGCATTCACTTTGTAAGTGTCTTTACCATATA  
TAATGCTTCACAGGATTCCAAAGTGATTGGGAGATCAACTGACGTTGTAAGTTGGGGATGCTTCATATAGT  
AAGGTGGAGAGGTCGATGGCTGTTTTGAATGTCTTCATCGATTTCAATCAGGTTTCAATGCCCCAGAGTAATG  
TAGTGATTTTAACTGATCCAGCTTCAGATCTACCAGTACGTAGAAATAGAGTAGCTGTGTTCCAATACAGGGT  
GAATATTCACGAGACACATTGATGCTTCAAAGAATCAGGTCTTACATTAGCTTTCTAGATGCAAACTTGATGA  
GCAACGACAGGGTACAAGGCATATCAATCATTACATCTTCACAGACTCGGATATGGCAGTGGTTGGTGATTTA  
GGAGAAATTTTCGTAAGCATCCGAAGTTCCATTTGGCTCTCACTTTCAGAAATAACAAAGCACAGCCTCTGAA  
TTCAGGGTTTATAGCTGTAAGAGGTACTGAAGATGGAATTCTAAGGGCCAAGGCTTACTCGAAGAAGTACT  
GAAGATTTACAGTTCAAATTCATGAAAGCATCACGAATGCTTGGAGATCAATTAGCTCTTGCATGGGTTGTA  
AAGTCAATCCCTCATTTGATGCAAGGAAATTCAGCAAACCAGAAACATTTGTTGAAGAAATCAACGGTGCTT  
CAGTACTTTTCTTACCATGCGCCTTGACAATTGGACACCACCAGAGGGCGCAGGTCAATTCACGGCATGCCC  
TTGAAAGGCAAGGGTGGTCATTTCAAAGGATCAAGGAAACGCCTAATGCTGGAAACCTGGAACCTCTTTCGAT  
CCTCTTCCAGCATCTCAGACATGCTGTGCCTTATTCTTAGTAGTGGACGAACAAAGTATGATTTCTAAACTG

>trans\_c\_2354 Z49150|*C. blumei* kinetoplast met gene for cobalamine-independent methionine  
synthase

AGAGCACAGACATTTTCTACTTCTTCAGTCCGCCGGGGAGCACATCGGAGCTTTACCACTGATTTATTTTATTT  
TTCCTGGCCGGAGACGGCGAAGACGATGCCAGGTCCCGCCTTAGAGATGGAGCCAGTTGAACCACAGTCATT  
GAAGAAGCTTAGCTTCAAATCTCTCAAAGAGCCCTAGACCTTTTCTCTCCGGTCCACGGCCATGTCGCTCCTC

TCGATCCCGAAAGCAAAAAAATTCGTATCAGTCATAAGATAAGTGTTGAGTACGGAGGAATGAAGAACATC  
GGTACTAAGCCTACTGGCCAGGCAAGTTCCGCTCCCGATAGTGCTATTGGAATTGGCCCCGGTGTGTACGACA  
TTCATCCCTAGAAATACCATCAACAGAAGATATCGCAGACAGAATCAACAAGATGCTTGAGTGCTCGAAAC  
CAACATCTTGTGGGTCAATCCAGACTGTGGTCTCAAACTCGCAAGTACGCCGAGGTGAATCCTGCTCTGAAG  
AACATGGTTGCTGCCGCAAAGCTCCTCCGAAGTCAACTCGCCAGTGCCAACTGAATCAGTGGCCGAGGTTTAT  
GAAGATTGAAGCAACATTCATCATTCCCTTATTCCAGTTATCCAGAAAGAAGAGTATGTCTGTTTGTCTCCAA  
TAACCGAGTAGCCGACATATTTAGTAGCCGTAGTTCCATCTTTTGAGCATTTTTTACAAAAAAGATTTGCATT  
GATATTGGTTTTGATTTGAAGTTGTTGTAGTAAGCTTTGTTGTTCTTTTTTCAAGAGGCACCAAACTGCGAT  
CTGTATCCAACCTAAATGAAAAAGAAGACGGTATTCACAGTTTGTGCAATTGTTTATGAACTTTGTCTCTAGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2355 X79267|B. verrucosa Betv III mRNA for pollen allergen

AAGACGGCTCCCTTAAAAGTCTTCTGTGTATCCATCCTTCCATTTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG  
AAAACGAAATCAAGTCCCTCTCGGCCTCATCCCCAAATCCTGTTGTTGTTTGTGTTTATCCGAAATCTTGAA  
ATGGAAGCGGTGGCCTCTGATGTTCCCGACCCCGCTGACGAAGAAACCTCTTCTTCTGCTTCTGTCGTTTCTG  
GCTTCGGTGCCCGAGCCTGAACCTCCTTGCCTGCGTCGCATATTTGACATGTTTCGACAAGAACGGGGACGGG  
ATGATAACGGCGGAGGAGCTGGGTCAAGCTCTGGGGCTTCTTGGGTTGGATGCTGATGAATCGGAGCTGGA  
TTCGACGGTCAACTCCTTCATAAAACCGGGAAATGTGGGTCTTAGGTTTGAAGACTTCGCAGCCCTGCACCA  
TCGCTAAATGACACGTATTTTGCGGGAATGGTGGAGGATGAGGATGAGAAGAGGGGAAACAAGTATGTGCTC  
GATGTCGCAGGAAGAATCGGATCTATCGAGGCATTAGGGTATTTCGACGAGGATGGAGATGGCTACATATC  
CGCCACCGAACTCAAGTGGTTCTAAGAAAGCTGAGATTGGCGGAGGGGAATGAGATCGACAGGGTTTCTAGA  
AGATGATTTTGTGCGTTGACCGCAATCAGGATGGCCGGGTTGATTTCTTGAATTCAAGGACATGATGCGCAG  
TGTTATCGTCCGGAGTTGTTGATTGCTCGACGCCCATGTTCTGTTCTGTTTCCACTCTCCAGTCCAAACACC  
TCTCTCGGGTCTCTGTCGATCATGCTCTAGCCCTTTTCAAATTTCTATTTTCTTTTCTCTCTTGTCTTGCCTT  
TTCTATGCAACTCGTCAACCACACCCAATATTCTTCTCCCTTCAACCATCTATTGTATTATTAATAATCAAT

>trans\_c\_2356 AB052133|Triticum aestivum tck2a mRNA for casein kinase II alpha, complete cds

AATAGGAAAGCCAAAGTATATGCGTCAAACTGCAACAATAATGCGCTCTCTGTCACGACCTCTCCATTAGCC  
ACTTGACTCACCCGTCCCGCTCTTTTTCTTCTCTTCTCTTCTCTCTCAGTTTACACTTGCGAAGCTCAAGTCTT  
CTTCCATGGCCTACTGCTCAGCCACATGAACCATGCCCCCTCCGCTTCTCTTAGTCTCCGCCGTCTTTTTCTC  
CTTCTGTCTCCACTCTCCGACCTTACGCTCCCCTCCCCTTCCACCTTCTTTCGACGCTAGCTTCTTCTAGCTCTGC  
TGTTGGTGTGTTACGGTGATAAGATCACACCGATCGGATTGTTGGGCTCTAACTACCCAGTCATGTCTAAA  
GCCCCGTGTTTATGCAGATGTCAATGTTCTGCGCCCCAAGGAGTATTGGGATTACGAATCTCTTGCTGTTCAATG  
GGGTGATCAAGACGATTATGAGGTTGTCCGAAAGTTGGAAGAGGAAAATATAGCGAGGTATTCGAGGGAA  
TAAATGTTAATAACAACGAGCGGTGCATAATCAAAATCCTTAAGCCTGTGAAGAAGAAGAAGATAAAGAGAG  
AGATGAAAATACTTCAGAATCTCTGTGGGGGTCCAAATATTGTCAAGCTTTACGACATTGTTAGAGATCAACA  
TTCAAAAACACCGAGTTTGATTTTGTAGTATGTGAACAGCACAGATTTCAAAGTACTTTATCCAACACTGACTG  
ATTATGATATACGCTACTACATATATGAACTCTTGAAGGCATTGGATTATTGCCATTCTCAAGGGATAATGCAC  
AGGGATGTTAAACCCCAAATGTTATGATTGACCATGAGTTGAGAAAACCTCGCTTGAATGACTGGGGCCTTG  
CTGAATTTTATCATCTGGAAGGATATAAATGTCGTGTAGCATCAAGATACTTTAAAGGCCCTGA

>trans\_c\_2357 XM\_002313443|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA905), mRNA

GTTTCTTTCTCTCAATATTCGTTTAGAAAAGTTTTCTACTCTTCTAGTCTGCCCTTCACTTGTGTACTGATTTCAA  
GCTTCTGCCATGGCTGGTACACCGCCTCTTCCCTTTCCCATCGAATAGATGTGTTTTGGCACGAGGGGATGCT

CAATCACGACACCGGCTCTGGGGTATTCGACACCGGAGAAGATCCAGGTTTTCTCGACGTCTTGGATAAACAT  
CCAGAAAACCTCTGACCGGATCAAGAACATGGTTTCCATTCTCAAAAGAGGACCTCTCTCTCCTTTCATCACTTG  
GCATTATGGACGACACGCACTCCTCTCTGAATTGCTTTCTTCCACCATCAAGACTATGTAAATGAGCTCGTTG  
AAGCTGATAAAAATGGAGGAAAGGTTATGTGTTGTGGAACTTTTTGAATTCGGGTTCTTGGGGTGTCTCACT  
TCTTGCTGCTGGTACTACTCTTTCAGCAATGAAGCATGTTCTTGAAGGGCAGGGCAATATTGCTTATGCACTTG  
TTAGGCCTCCTGGACACCACGCTCAGCCAACTCGAGCAGATGGCTATTGTTTCTTGAACAATGCTGGTCTTGCT  
GTTCAATTTGGCTTTAAATTCTGGCTGTGAGAAAGTTGCTGTTGTGGACATTGATGTTACCATGGAAATGGAA  
CTGCTGAAGGATTTTACACGTCCAACAAAGTTTTGACTATTTCCATTCATATGGATCATGGTTCCTGGGGTCTCT  
CCCACCCTCAAAGTGGATCCATCGATGAGCTCGGTGAAGGACAGGGTTATGGCTACAATTTGAATATACCTCT  
GCCAAATGGAACAGGGAACCGTGGATATGAATATGCCATGAAAACATTAGTTGTCCAGCAATCCAGAAGTT  
CGAGCCACACATGATTGTTTTGTTGTAGGCCAAGATTCAAGTGCTGTAAGTCAGTTCATTTGTTAC

>trans\_c\_2358 AJ248334|Medicago sativa subsp. X varia mRNA for Enod93 protein

GGGCGTCGAGTCGATGGTGAGGGTTTAGGTGGCGAAAACGAATTCGATTGGTTAATTTCCAATTAATAAAAT  
GTTGGGTCGGACGAATTTCCGTGGCAGATAAATTTAAGATGGATTGATGAACCTTGAATACAACCTCATCGATT  
CGACTTCTCTGAATTTCCGTTTTGTTTTCTTAATTCTTACTACAAACAATGGGCATCCCATCGGAATTGAGGGA  
TTTGTTGGGTGCACAGAAGGGATTCTTTTGAATTCCTCGCCGGCTGAAGAGCGGAAAATCGCGAACGCCAA  
GCGATGTACTCAAGAAGGTGTTCTGTGCTGGTTTCAAGAACGCTTCTATTGCATGTGTTGCCAGTGCAGTACCT  
ACGTTGGTTGCTGTTTCGAGTAGTTCCTTGGGCTAAAGCAAACCTTAATTATACTGCTCAGGCACTCATCATTTT  
TGCAGCATCAATAGCTGCCTACTTCATCACTGCTGATAAAACCATCTTAGAATGTGCAAGAAGAACTCTCAAT  
TAGAGAATGCCTTGAGACACCAAGGATCATAAATGCACCTTTGAGTGCCTTGCTGCTGGAGGCTGGAGCAGTC  
AGTCCTGTTGTTGTATGATGGAAGAAATGGCTCCACAATGTTTAGTTCCAGTTTGAGATCTAGTTTCTCACTTG  
TTCTACATTTTCTTCCCAATTGCCAATGCCAAAGCCTTGGATTGGCAGGCTGGATGTAAAACAAAAAAAAAAAA  
AAAGTCACCTTTTATCACTTTCTAGTGCTTAATCTATCCCTTTATTTGGGATATTGGAGTGCAAGTAGGGTTTAT  
GCCGCCGTTTACTCTGTTTCCCTTTCATTCTTCTTGAATATTATTTACTTGATATGAAATATCATTTCAAGCTTCC  
AGGCTAAATGAAAAATTGTTATCTTCCTTGTTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2359 AY104648|Zea mays PCO124263 mRNA sequence

AATGAAAGCTGAGGTTAAATTTAGGCTGAAAGTTGTCACCAACAATAATTAGTGGAATTTTCCAGAGGGGTTT  
TAGAGAAAACGCCGTCCTTTCATAGCATCCGAGCTCGAGGTTTTGGGTCGAACAAGAACCGAAGATCAGAATT  
CGAAATCTATTATTGAATCTTTCGCATCCTTCGATTTTCATATCTACTCATGGATGAGTTGAGATCTGCAATGGAG  
GAACACATGGACCAAATGTCGGATCTCATTAGAAAATTTTCATCCGAACTCCGATCCGGTCTCCGTCCCCGCTCT  
TGATAATTTTCATCGGCTTCTTCCACGCCATTGACTGGAAGGAACCTTGGTTGATGGGGTTATTGGGGTTTCATG  
GATTGTTGCTGATAATAACTATCTTACCAGGAAGCGTACCAACTTCAGATGTTCTTGTTCCTTTTTGCACTGG  
CTGGTGTATATTTTGTGAAGGAATCAATAAAATCTTGAGCAAAAACCTGGAAGAAGTTTGCCACCCAAAACTA  
TTTTGATCCAAATGGAGTTTTCTATCAGCACTCTGGTGTGGGCCACTGCTTGTAAATTTCAATGATAATCCTGAT  
AAACACGCTCTTTACCTTATGCTATCTAGTAGTCAGGTGGAAAAGAGCTGAGCTTCGACATCGCGCAAGACTG  
TCACAGAGTAAAGAAGATTGACCTCATCAGATAAGTTTTTAGCTTTGATTTCTTTTGTGGTAGCTTGTAGATC  
TGTATCTTTTCTTCACAGAGGTCGTTGGAATTATAGGAATACAATGCTAGGAGCAGTTTTGTTCTCTTTTTTA  
TTTATTGACTAGAATCTACTTAGATATTGTTGCGATCACTTTATACAACATTCTAGCTTGAATTTTCATCAGTGA  
GTAATATTTTCAGTGATTACCGATTTTATCACTGAATGTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2360 NM\_105961|Arabidopsis thaliana VPS46.2 (VPS46.2) mRNA, complete cds

TTTCAAATCAAATCCCCAAATCATTTCTTCCCCAGCCCTAGCGTCTTTCGTCGGTTCCCTTCATCAAATTCCACC  
GCATTTTGGGAATTTTCCGACCATGGGGAATACCGAGAAATTGTTGAATCAAATAATGGAATTGAAGTTCCT  
TCCAAGTCGTTGCAGCGCCAAGCCAGGAAGTGCGAGAAGGAAGAGAAATCCGAGAAGCTTAAGATCAAGAA  
GGCTATGGAGAAGGGCAACGTTGATGGAGCCCGAATTTACGCGGAGAACGCGATCCGTAAACGAACAGAAC  
AGATGAACTATCTCCGCTTTCTTCGAGGCTTGATGCTGTTGTTGCTCGCCTCGACACACAGGCCAAGATGACC  
ACGATTAATAAGTCCATGGCGTCGATCGTCAAGTCCTTGAATCTACTTTGGCGACTGGGAATTTGCAGAAGA  
TGTCCGAGACTATGGACCAGTTTGAGAAGCAATTTGTGAATATGGAGGTTCAGGCGGAGTTCATGGAAAATG  
CAATGGCTGGATCTACGTCCCTTTCGACTCCGGAAGGAGAAGTCAACAGCTTGATGCAGCAGGTAGCAGATG  
ATTACGGTCTGGAAGTCTCCGTCGGGCTACCTCAGCCGGCGTCACATGCAGTACCAACGAAGGAAACCGAGA  
AAGTTGACGAGGACGACTTAACGAGGCGCCTTGACAGAGCTTAAGGCCAGAGGTTAACAGTACGGCACGAAT  
ATAACATCTTATTACTGTGTGATATATATCAAATTTACGAATTTAGCAATTATGCATGAGACATTGTGCTTGCTA  
TGAATATTCGAAGGATGTTACTTTTATGTCTATACTCAAATGAATTCATTTCAATGGTAATTTCTTGCTGTGC  
ATTTTCTTTATGTTTTCTGAGTATTTGAACATGGGGCTGGGGTTCGATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_2361 AF370538|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g26340) mRNA, complete cds

CACAAACGCCATTCTCCCTGGCTGACTGAGAGAGGGAAAAAGGTGCGCCGAATGTTCTATCGTCAATGGCG  
ACATCCACCACTCTCCGCTAATTAGCTCGGAGCAGTTCAAATTCTCCGCCTCCATTCTTCCGCCTCTGCCGCTG  
AGATTCACCGCCGCAATAATAAGAATCACTGCCGAGTGAGGTGCGCACTGTCCTCGAACAATTGGCGGGAG  
AGTAGGCGACTGTTCTCCATTTCTCTCGTCCTCTCAAATTTGTTCTGATTCTGACCGTGCTTCTGCTGGAAGC  
TTTCTGGACAAATACGTGAAGAAGAAAAAGCTGGATCCGCTTGAAGTTTATGTTCTGCCGTCATATTGACCA  
AGTTACAAATCGAAGACGTCGGGAAAAATTTGGAAGGTAGTAAACCAGAATATGCGACATGCCGATCTCTCTT  
GCGTTCTGGACTTGATCATCTCTTCGCGTAAATATTTCGAGCAGTCGCACAATATGCATCAGAGGATGGAAAT  
GGAAACATTGCGTTCGACAACGTTGACCGATGTCTCAGAGCTCTGGAAGAACTTGATTCTTCGCTTTTACGTGC  
TACAAGAAATGATCAAGGAACCTCAATTGAGTCAATGAAGACCAACATTGACACTGCCGTTCTTGCTCTAGAC  
AGGCTCCTTCAAATGTTCTGCTGATGTGTTAGCTAAAGGGAAGGCCATTGCTGATGCTTATATCTCTCCAGA  
AGTGGAGGAAACCGAAATTGAAGACCCACAACCTGAAGCAGTTGGAATCGATTTTATAACATTTACTTCATATC  
CTCAAATCAACACGATCAATTTTCTTTAATGTGAGTATGCTTTAATGAAATGAGATGTGTTTATAACAGGAA  
TATATATAGATATATATTTACGTATATTTACACCCGTTAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2362 AY058191|Arabidopsis thaliana AT3g11530/F24K9\_21 mRNA, complete cds

TGCCACATTCTATTCATAAGCGGCCTTCGAATATACCAAAAGTATCCCAAAGAAAGGGAAAGAAAATTATCCG  
GTCACAGCTTAAATCTTGCTTCGTCGTCGCGATTAAGGGCAAGAATCATCACGCATCACTGCGCCAGGAACT  
TCAAGCTTGTTATAATGGCGATGACATTGGAAGTGTTAGCTGGGCTTGCGTTTATGTTTTATCTAGCATCTTG  
CTACAGATACTGGCTTGTCACATATAACAATTGGTGGCCTTTGTTATCAGCTTTGATGTACGTGCTTGTTCC  
AATGCCTTGTTTATTTTTTGGAGGTGGGTCCACACAGTTTCTGATTAGCCGAGATGGTGGAGGATGGATAGGT  
GCTGCTAAGTTCTTGACGGGCGCCTCAACTGTCGGGAGTTTGCAATTCCTATTATCCTGAGGCATGCTCATAT  
GATCGACACAGGAGCCATGTTCATAGAATTCGTTTCCTTCTCATATTTGTTTGCACTGTGTTGTGCTTCCACCG  
TGTTAGCCTTGAAGATGATTGGTGATAATTCCAGACCAATATAGTGAAGCAGATTTGAGTGCCGATGATTATA  
AAACCTTCCTTTGTTAAATTTAATCCTCGTCTTTGAACACAATCGACACGAGACATTGTATAACAAGAAGAA  
ACTTGCCAGGAGAAAAGAAACCGAGCTCGAAGTTTCTCATATGTAAATCAATCTAATGTATGATAATAGTTA  
TCTTTTTTAACCCCTTCTTTTCTTGTTATGTCCAACGAAATTTGTGTTAAGTGAAAGGCTTAGGCAATACTAATT  
TTAAGAGTATATTCTGTGGTTTGAACTTTCAAAACCTCTATTTATTTTGATTCTTTACATGTTTATTTGTTTG  
AAGTTTCAATAAATAACTATTTTATGGTTCTTGTCACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2363 BT004796|Arabidopsis thaliana At1g51160 gene, complete cds

GACTCCGAGAGATCGATTTGCTTACACCGTTCACAAACGACGTTTCGTTCACTCTGTCCTTGTCTGGAGGGGTCTC  
CGGTGCCGTAAGGCTCCGATCTGCTGACGTTGTTGTGCGCCGCAATCATTGCCTGACGAATCAAGAGCTTCGT  
CGTTGAATTGATCGCTTCCTTTACTTTGCAGTCTCTGCTCTTTGAGAAACCATGCAGTTCTTTGGTGGGTCAGAA  
ATTAGTCCCTCGCCTCCGGTACCGACAGCGACTGGAAACAATGTGCATATGATGTATATTTTCAATAGGAATG  
GAGTTTGCTTGTTCTACAGGGAGTGGAATCGGCCTCTCCGGACATTGAATCCCCAGCAAGACCATAAACTTAT  
GTTTGGTTTGCTCTTCTCCCTTAAATCCTTTACTGCCAAGATGGACCAACCAGTGTTGATAAAGGAAATCTTG  
GGGTGCCTCAATTACCTGGCCAAGGTTGTTCAATTCACAGCTTTCGTAATAACCTACAAGCTCAGTTTTACTG  
AAACTCCATCAGGGATAAAGATTATCTGGTTACCCATCCTAGAACCGGTGATCTGAGGGACCCATTGAAGTA  
CATCTACAACCTGTATGTTGAATATGTAGTGAAAAATCCACTCTACAGTCCAGGAACTCCAATCAGGTGTGAGC  
TATTCATACAAGTCTTGACCAATATGTAAGAAGTATATTGTAGAAATCAGAGGTAGCGACTACTCTGCCGATT  
TAGTTTCATTCAATTTGTATGCTTTGTCTATCTTTATCTATGAATGAATGTGATTCACTGGATAATGGTGCAGT  
TGCAGGCAATTAATGCCTACATGGGAGTTTCTATTTGTTTTCTATTGTTTGACTGTAGACAGTGCAACGGT  
ATGAAATATTCTAGCTAATCTTTTACCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2364 GQ256648|Jatropha curcas Dof3 protein mRNA, complete cds

CTGGCATTCTATGCCGTTCTATCCGACCGCCCCATTTTGGGGTTGTACGGTTCCTGGCGCCTGGCCCATTTCCA  
TGGGTTTCCCAGCCGCCACCTTAAGCCCTGTTGCCCAAATCACGCTCCCACTCTCCAACGTTGGGGAAACA  
TTCAAGAGATGAGAATGTGACCAAGCAAAGTGATTTTGGGGAACACGAGCAGCAGGAAGATAACAAAAGT  
AGAAATGTCTTTGGATACCGAAAACATTGAGGATAGATGACCCTGGCGAAGCAGCTAAAAGCTCCATATGGG  
CAACTCTAGGAATCAAGAATGACAAGACTGATTCAGTTAGTGAAGGGCTCTTCAAGGCTTTTCAATCAAAAA  
GATTGACGAAAAGAATCACAAAACCGAAGCCTCTCCAGTCTTGCAAGTCAATCCAGCTGCATTGTCCAGATCA  
ATCAAATTTACGAAAGCTCGTGAAAGGATACAACGATGCTTTTCCCCAAATGTGCCATCAAAGCTTTTCACTG  
CACCCCATCTGGATAGTAAAAGCTTTAAACCAACTACAAGTGTGCTACAAGTTGATCCTTCTGTTTTAAATCTCTA  
TAAACCATCAGATCCATCCAAGGAAAAGAACGGTAGATCACACAGCAGTTACCTTCTAGAAGAAAAGCCCTCG  
AGTTTCGGTAGCGGGAAGACGAAAATGACTTTGATTTTATTGTGTACTTGTAGTGTGAAGAAGTAGATGGC  
ATTTTGTGTGTAGTTTGAAGTTTGTCTTCTGAATCATGATGTACATATACATATATATATAAAAAATATG  
GGATCCAGGAAGAGAGAGTGTAGTACAGGAATGAGTGAGGTGAAGTAGCAGTACCAATAATAACTAAAATGT  
GTACTTAAATAAACTTTTCAAGAAATAAAAAAGAAAAATTGATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_2365 NM\_001059905|Oryza sativa Japonica Group Os04g0527800 (Os04g0527800)  
mRNA, complete cds

TGGTTGAAGGCGATAAAGCCCAGAAGGGAGGAAGGAGCTTCATCACCAGCTTCCTCTCTCTTCAACAATGGC  
TTCCCTCACTTCCTCTTCTTATTGCTGTTCTACACTTCCCAATTGCTTCACCGCCCCAATTCTCCATTTCCAAAAT  
TTCCTTCTTCTACTTTCTCTCATTACCGTCTCGAACCGCTCAACACTTCTCTTAGCAGCGGCGAAGAAGAAGG  
ACTCCGATTCAGTTCTGCTGTACAAAGGAATCTAAAAATTCCAAGAGTAATACAGTTGGAGACGAGGACGA  
ATTCTGGAAGTGGAAGAGGAGTTGCCTTGGTATCAGGAGAAGGCCTTGGACCTTGTGGAGTTCTCTGGCTC  
TGTTACTCAGGCAATTCCTGGCCCTAGGGTTGGCCAGAGCTCGTTGCCTTGATTCTTGCTGTTCTCTTGCTTA  
TTTAGGAGTTACTTTTGTATCGCCTTCGTTAAGACTGTTGCGAAATTCATTCCTTAAAGAAAAACGCCGGA  
GACAGGTCACAAAAAATGCCATTCTCTGCAAATCAGTAGATGAGCTGCTTGAGAAAGGAAGGGATGAAGTAA  
AACCTGAGGCTCTTGCTGAAATCGTGCAGAAGACAGGTTTCAGTGTGGATGAAATTCGCGGAAGTACATCC  
GTTATGCACTGAATGAAAAACCATCAACCCTGAATTGGTTGCCAACCTGATTCAGCTAAGAAAAGCTTCTGCA  
TTGGAGGATACTCAGGTTGCTCAAGTTCTGAATGAGGTATCAAGGAGGATTGAGAGAGATAAAGGTCCAGTT

GTTATGAATATGTCAGGGTATACCCGAGAAGGGTTTCAAGAGAAAAGTAGCTGTGCAAGCCCTTTTTTTGCAA  
AATCTTCTACCTGTCTGAACTGCCGGAATCTGTTCAAAAGATAACTCTTGAGTGGGAAAAAAATATTT

>trans\_c\_2366 BT003147|Arabidopsis thaliana At1g36050 mRNA, complete cds

ATTTGATTGACCAGTGCAAAAGAGAAGGGTTTCTTCAACGGATCAAAGATGAGGATGGTGAAGGATGCAATA  
TATACGGGTTTTTGGAGGTTAATAAGGTTGCTGGAAATTTCCACTTCGCACCTGGGAAAAGTTTTCAACAGTCA  
AATGTTTCATGTTACGATCTGTTGGCTTTCCAAAAGGATAGCTTCAATATAAGTCACAAGATTAAACAGATTAGC  
TTTTGGAGAATATTTCCCTGGCGTAGTGAATCCTCTGGATGGCGTGCAATGGGAACAAGAAACACCAAGTGCA  
ACATACCAGTATTTTATCAAGGTTGTACCTACTGTTTACAAGGACGTTAGTGGGAATACCATCCAGTCGAACCA  
GTTCTCTGTCACAGAACACGTAAGGACTGCGGAAGTTGGTCGACTTCAGTCACTTCCTGCAGTTTTCTTCTTCT  
ACGATCTTTCTCCTATCAAGGTCACATTCAGTCTGAGGGGCATGTGTCATTCCTCCACTTCTTGACAAATGTATGC  
GCTATAGTTGGAGGCATCTTACCGTCTCAGGAATATTAGATTCATTCATATACCATGGTCAGAAAGTGATCAA  
GAAGAAGATGGAGATTGGTAAGTTCAGCTGATAGACGACATATTTATTCGAGTTGTTGACGTTACAGAACCTG  
GCAACAATTTCCATCTCTGATGATGAATGATCAAATCAAGAGAATCAGAACGGTTAGTTCGTTGTATTAGATTA  
TGTTTGAATTTGTTGCCATGATTTTACTCGGTTGAGAAGTAGCTGAGCTCCCCAGCTCTGTTTCATATTTAAA  
ACCATTTGTTTACTTCTTTTTTTTTGTTTAACTGTTGTCGTAAATGTGAATATCCACATGAAAGAGGTAAAGACA  
GGATTCTCATTATTTATTAGATCCCAATTTTTGACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2367 AY107492|Zea mays PC0060628 mRNA sequence

AGAGAAAGTTCAAGGGTTAAATGTGAGGAAGACGATTGAAGCTTTGGATAAGATGAAGGGGTTGCCTTCTCG  
TGCGCATGTGGAGCCTGGGGACATTCCTTCTTTATCTGATTTGGGTCTTAACCAACCTGTGGCTATGTCTAAGG  
AAGGATGGCTAGCTCCCAATACTTCTCAAGTGGGTGGGGAGACTGAAGCACTTCATAGGCTTCAAAAATATGC  
AGCTGAGTGCCGAGCCCAACCACCAAGGCAACAACGAATGGTGTTCAAGTAGCATATATGGTGCTACCTTT  
TCAAACAAAATTTCTCCATGGCTGACCATGGGTTGCATTTACCCCGATCGGTGTTTGATGAATTAATAAAAC  
TGTTTCCAGGAAGAATGATGGTGGCAATGGCACTGGAACAACTGGCTGATGTTTGAGTTATTATGGAGGGA  
TTTCTCCAGATTCATTACCAAGAAATACAATTCAACAAAGAAACAGCCTAATCCTTCTCCAGCTACAGCTTGTAC  
TGGCGCCCTTGCTTAGGGAGGGTTCAAAAGCAGGCATATCCTCATGCTGTAGTCATTTCTTGATCTTTGAATT  
ACCGTACATTGCCTTTGTAAACGTTGTTTTGATACCAACTGTACGTCTTCAACCCTCATCTCGTTTGCTTAGA  
AGAACTCACTTAGCTCTACGAATAAACCGGTGCAACATCTTAAATTTGCCCCACCCCCAGAGAGAAAAAAA  
AAGGGTATTCATTTCCCGCTACTTTGTTTTCTGTTCTAAACACATATAACCTCAGTTCTGGCTATTGTATGGTG  
TGAAATTGTAGGTTCAATTTCTGTTGTATTCAACTTTTTGATTTCCATAGTTGGGATGGGCTGTTTCATGTCAAAAT  
TATCACCTTGAAATAAAAATTACTATAGTTATCTTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2368 XM\_002304947|Populus trichocarpa thioredoxin-like protein (PtrcCXXS1), mRNA

AATAAAAAGAACGACAACGAAGTGCACCAAAAATGGGTGAGAGTGATGCAATATGAAAGATCTTCTGCCAC  
TGTTACTATTTCCAGGTTTGCATGTGAAGTTGGTGAAGAATCAAATCAAATCAAAATCAAAATCAAATCAAACA  
ATTTGGATAAGATAAAATCAAGAAGTGGGGTCCGATTCTAGCTAATTTTATAGCAATCCTTTATTTCTGTCTAA  
TCGATGGTGCAAAATTTGGATTACAACGCAATCCCACTATCAATCGCTGAAGAACTCGGTAAGACTCTGAG  
TGGCTAAAGTGGAGATGGAGGGACAAGATCAGTGGCGACGGACTAGGGTTGTTAAGATTGAATCTATGGAA  
TCGTGGAATTTCTACTTGACTAAAGCCATTCAACAAGATTCTCTTATTGTTGTGCACTTCACTGCTTCTTGGTGT  
ATGCCTTCGGTTGCCATGAATCCATTTTTGAAGAACTGGCATTAACTACCCGGATGTTCTGTTCTCACTGTC  
GATGTTGATGAGGTTAAGGAAGTGGCTGCTAACTGGAGATAAAGGCAATGCCAATTTCTTGATGATGAAA  
AATGGTACTCAGATTGACAAGCTTGTTGGGTGCAAAATCCAGAAGAGATAAGGAAAAGGATAGGGGCATATACT  
GAGACTGTACATGTTGCATAATGTAATGTCCTTATGGTTGGTTTAGTGGTGATGGTATATTTGGTCTTGAATA

TATGGCTGTGGTTTTTGCATCAGATGGAGACAAGGTGTTGGTCTGGCTTTTGTATGTGGTTTTAGCCCCCTCA  
TCATGTACATACAAGTTTTTGAAGTGTGCTCTGTTAATTAGAACTACCATCATGTTATTATCCTGAAGTT  
GTGAAATTTAAAGAAAGGGTTCTGGGTTTTGTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2369 AF419551|*Arabidopsis thaliana* At1g67280/F1N21\_10 mRNA, complete cds

GAAGAAGCTATTCGAATCTCTCGCCATTGCTTTCTTCTCTCTCTGATTACGAAGGCTCATAATCGCTTCAAA  
TTTCTTGGAGATTTGGTGAAGATAAGAAGATTGAAATTGAGTTTGAAGAAATCTGTTGGCCACGAGTTCTTC  
TGTTTCTCATTCTGAATTGAGACCAAAGTGACGGAACGAAGTGATGGTGAGGATATTGCCGATGCCTTCCTCC  
TTACGACCTTCCATTTTCATCATTTACCTTTGCTGCCGCTTCTCGTTTGCCTCATTCCCTCACTTCTACACCCCGAC  
TCGGTGCCTGCCTTCATTTCTTTTCGGTTTTGCTGTTCCACAGGCACAATTCTTTGGTTTTAACTCTTCGAAGTT  
GTTGAAGAAGTGTAAATAACACCATGAGGGTGACCGTCAATGGATATGCAGCACAGGCTTGACAACAGCCAG  
TCCTGAAAATATTCTTGAGTGGGTAAAAAAGGATAAGAGGAGATTGCTTCATGTTGTCTATCGTGTGGAGAT  
TTGGAGAGGACCATAAAATTCTATACTGAGTGCCTGGGGATGAAGCTGCTGCGAAAACGTGACATACCAGAG  
GAGAGATATACAAATGCTTTTCTTGATACGGTCCCGAAGAGGCTCACTTTGTTATTGAACTTACTTACAATTA  
TGGAGTTGACAAGTATGATATTGGGACTGGGTTGGGCATTTTGGTGTTCAGTTGAAGATGTTCCAGGACT  
GTGGAAGTTATAAAGCCAAGGGAGGAAAAGTTACCAGGGAACCTGGTCCTGTTAAAGGCGGCAATACTGTG  
ATTGCATTCATTGAAGACCCAGATGGTTATAAATTTGAACTCTGGAAAGGGGGCCTACTCTGAGCCTTTATG  
TCAAGTAATGCTTCGTGTTGGTGATCTTGATCGGTCCAATAAATTTACGAGGAGGCTTTTGGCATGGA

>trans\_c\_2370 DQ321490|*Nicotiana benthamiana* AGO4-1 mRNA, partial cds

CACCCGGTACTATTATTGACAACAAAATTTGTCATCCAAGAAACAATGATTTCTATCTCTGTGCTCATGCTGGA  
ATGATTGGTACTACAAGGCCTACTCATTATCACGTTCTGTTAGATGAAGTTGGTTTTCTGCAGATGACCTGCA  
AGAACTAGTCACTCTCTATCCTACGTATACCAAAGAAGTACTACAGCAATTTCTGTTGTTGCTCCGGTCTGCT  
ACGCTCATTGCGCAGCCACCCAGATTGGGCAGTTTATTAAGTTTGAAGATACATCAGAGACAACCTCGAGCGA  
TGGCGGGCTGACGAGTGACAGGGGAGTTCTGTGCCCAACTGCCGAGATTGCAGGAGAAGGTTTGCAACTC  
CATGTTCTTCTGCTGAGGAGATGGGGTTGAAGGAAGGTAGTAAGTTAGTATCTAATTTTGGTGCACAGAAGAT  
GGTAGGTTTTGTTGTCCATCAATAGTAAGATGGGGACCTTATTTAGTGTACGAATCTGGGAGTGTTGTGG  
TTTAAATGGCACCCCTTCGTCCTTCGTCCGTTTGTGTTGAAGTACAAAACAAACCTCAAACTCTTTTTGATTT  
TTATTTTGTGATGATGCTAGCCTGGCTTTGGCTTTGTTTAGTATATATATAGAAAGCCAGCAAGGAGTA  
GAGGGGTCACTTTGATTTTATTATCCTCTGAACTAAGCAGCACAATCGTATAGTGAGTAGCGGGTCACTTG  
CTGCGGGCTTTGACTGCCTGCCTCCCTTGGCAGAGCAGAGACTTGAAAATTGTCTTTATTTATCTCTGCTTC  
AATCTAAGCCTACTAATTGGTGCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2371 AM231527|*Fagus sylvatica* mRNA for protein tyrosine phosphatase (ptp1 gene)

AAGCGCACTCATCGATTCAAATCCCCAACGAAATCCAGTTTATCGGATTCGGAACCATTACAAACTTACATTT  
TTTTCTCCATCCTTCATCCCTCTTCCGCCTTACAAGTCAGACCGCTGGGGAACCTCACTTCCACACGTTCCCGG  
AGCCATCATCGCCGGCATCCCATGGCCGCCGACCTCTTCATCCTCCTCCAACACTTCTATTTTCTCCCCGAT  
TCTCCCCCACACTTGCTCTCAAACCCCATCAGATTAAGCTTTGTTCCAAGCTCTTGAGGCCTTCACGGACAAG  
CTCCAGAAGCCTGATGTCATCAACCAGGAGTTCGCTCGATTGCAGGCCAAGAGAATAACTGCATCTGATATGA  
GGAGAAGTTGCTCTGTGGCACTTGACAACGTCAACGTAAATAAAATCGTTACATGGATGTATTACCCTTTGA  
TGAGACTAGAGTTGTACTTGACTCATGTAAGGATTACAGACCTTCTGTAAGGGGTTATATCAATGCTAGCTTTA  
TTTCGACTTCTCCTCAAAAAGCCTTTCTAAGTTTATTGCCACACAAGGTCCGTTACCACACACTTATGAGGATT  
TCTGGGAGATGGTATTTCAGTATAAATGCCCTGCAATCTTGATGCTTACTCGTCTTGTGATAATTACAAGATG

GTAAAGTGTGGAGATTATTTTCAGGCAGAAGATGGTCCTAGAGATTTTGGTAATCTAATTGTTGTCTCTAAATG  
GATAAAATCTTCCAACCTCTCTTATATTGCGCCATTTGGAGGTGAACCATAAAGAGTCGGAAGAATCTGTG  
GCTGTTCTACATATTACGTACCCAGAATGGCCTGACCATGGAGTTCCTAATGACACACTTGCTGTTGCTGAAAT  
GTTGAAGAGGCTGTATCATTTACCTCCCGATCTTGGTCTGAATAGTGGTGCATTGCANGTATT

>trans\_c\_2372 NM\_001054250|Oryza sativa Japonica Group Os02g0673600 (Os02g0673600)  
mRNA, complete cds

GCCCAACCCACCAAGAAGAAAATAAAACCATCCCTAGAAATAAAGGAGAAAGAAAGAAAAAGCTATCTGG  
GTTTCGTTTGTAATTTTTGAACTACTGAGCACGCGATCAAACGCTTCAATCTTGTTTCCAAAATTTTCATCTTTT  
TTTTTTTTTTGGTTCTTTCTCTCAGTCAAATCCCATACGGTTGTTGGAATTGGAATTAGTGTCTTCTAACAAAA  
TCAGAATCTGGGTCGATGGCTAATCTCTATGTCAAGGCTGTACCCCGGCGGATCTGAATAGGAACACAGAAT  
GGTTTATGTATCCCGGTGTTTGGACGACCTATATTCTATTCTCTTCTCGCTTGGCTTCTCGTTCTATCTGTATT  
TGGCTGCTCTCTGGCATGGCTTGGACCGTCGTCAATCTATCTCATTTTGCTGTCACTTACCACTTCTTCCATTG  
GAAGAAAGGGACACCATTTGCTGAAGACCAGGGGATCTACAACAGGTTGACATGGTGGGAGCAGATTGATA  
ATGGAAAGCAGCTTACGCGCAACAGAAAATTCTTGACCGTTGTTCTGTGGTGTCTGTACTTGATAGCCTCGCA  
CACAACCTGACTATCAACATCCAATGTTGTTTCTCAACACTCTTGCACTAATTGTACTAGTTATTGCAAAGTTTCC  
CCACATGCACAAGGTACGTATCTTCGGAATCAACGCCGACAAGTGAAGGTACATCAAGAAATATTTGGTTCCG  
ACTTGCCAAAAAGCTTCTCGTCCTCTCTCAATCTGGTAAATGTTATATCTCTGTATAGTAGTTGGGACTGGA  
AGGATACTGAAAAATTTGTAGTTTTTCTTTCTTTTCTTTTCTTTTGTACCGACTGCTTGTTCGCGCTGT  
TGCTTAATGAATAAGTAAATGCAATTATCTTTATACAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2373 M72892|Solanum tuberosum spliceosomal protein (U2B) mRNA, complete cds

ACATTCGGAAGAACACATTTCTGTCCATTACTCCCTGATTCTCTGTAATCCGAAGGCCCTGAACCCTAACACCA  
TGTTGTGCGGGGATATACCGCCTAACAGACCATATACATCAAGAATCTCAACGAGAAGGTCAAGAAAGAAG  
AATTGAAGAGATCCCTGTATGCTTTGTTTTCTCAATATGGAAGAATCCTTGATGTCGTTGCCTTGAAGACACCG  
AGGCTTCGAGGGCAAGCATGGGTTGCCTTAGTGAAGTGACTGCAGCTAGCAATGCTGTGCGGCAGATGCAA  
AATTTCCATTCTATGAAAAACCTATGCGAATTCAATATGCCAAACCAAATCAGATTGTGTTGCTAAAGCTGA  
TGGAACCTTTGTGCCAAGGGAGAAGAAAAAGAAGCAAGAGGAAAAAGCTGAAAAAAGCGGCGTGCTGAA  
GAAGCACACCAATCTGCGATGCCCAATGGAACAACTACTGAGAATGGAGGTTCAAATGCCACATTCCGTCATG  
CAAATCCGAGTGCTACAGAAGCTACTCAAACAACATACTATTTATTGAGAATTTGCCCCATGAAACCTCTAGT  
ATGATGTTGCAAGTTCTCTTCAACAATATCCTGGATTCAGGGAAGTCCGGATGATTGAAGCAAAGCCGGGTA  
TTGCTTTCGTTGAGTTTGAAGATGATGTTCAATCCTCTATGGCGATGCAGGCTCTTCAAGGCTTTAAATTGAC  
CCCCAACATCCCATGGCTATCTCTTTCGCAAAGAAGTAACTCAACCTTTGTTCTACTGTTACTAGTTTGAATGT  
GTAGCAGGTTTATGTTAATGTCACCGCACATAACATGAGTCGTGGGGTTTTTACGTAAAGTTCAGATATCCCTT  
CCCCTCCTTCAAAGAGAAAGAAAGAAGGAAAACATTGGGGAGGTAGCCCACTGGAAAAAAGGGACTTAAT

>trans\_c\_2374 Novel Gene

GAGGTTGTCCCGCGGCCACGCCGCAAGCTTATTGACTCTCCTTCCGCAAACCTAAATTAATTAATCAATACTT  
TATATAATTCACCGATCTCCATTTCCGATTATCCTCCATTTCCCGCGAGATCAGAGTCATAATCTGAGTGATG  
GAAACCAGGCTCTCCGCCGCTCTCGGCCTTCCCTACCGGATGCCGTTTGTATCCTTCTCTTTTCGAATTCCCC  
ACTCTTTTCTCCAACCTTTGATTCATTTTTCGCTGGGAATAAACCCCTAAAGATCGGAATCACTTCCCTCTCCGT  
TTTCTTCACTTTCCTTATCCACAGAGGAGCAAGTTTTACCCCCAAATCCCCCAATTGGGTCAAACCCGTCTCTA  
GAAGCAACCCAAAAATCCAATCCCTTATGAAGAATTTGTCCGTCTTGAACGGGCAGTCGTCGGTGCCGCTGG  
TGGTGCCATGGCCGGCGCCTTTACTTACGTGTGTCTTCTTCACTTGACACCATTAAACAGGCTACAGACAA



AAGGGGCTTCAGAGATTTACAAGAACACGTTTCGACGCTGTCGTCAAGACCTTTCAATCCAGAGGGATTCTCGG  
GTTTTACAGCGGCATTTCCGGCAGTAATCGTCGGTTCGGCAGCTTCATCCGCCGTTTATTTTGGAACTTGTGAGT  
TTGGTAAGTCGATTTTGTCCAAATTTGATTACCCTTCTCTGCTTATTCCTCCAACTGCTGGGGCTATGGGAAATA  
TCATCTCCTCAGCTGTAATGGTGCCGAAGGAATTAATTACTCAGAGAATGCAAGTTGGGGCTAAAGGGAGAT  
CTTGGGAAGTTTTGATTACAGATTTTAGAGAAAGATGGTATAATGGGTCTTTATGCTGGTTATTTTGCTACATTG  
CTTAGGAACTTACCTGCTGGGGTTTTGAGTTACTCTTCGTTGAGTATCTGAAAGCTGCTG

>trans\_c\_2375 XM\_002314638|Populus trichocarpa homocysteine s-methyltransferase (HMT2),  
mRNA

TGAAAAATTTCCACAGAAGAAGAGTGCAAATCTGGCTAATGCAGGTGCTGACTTAATCGCGTTTGAGACAAT  
TCCAACAAGTTGGAAGCTCAAGTAAGAAAATATTGTCGAAAACCAGTTGTTATTGTTGGTGTTCTGCGTTCCA  
AGTTTAACTTCTTGGTGCTGCTTATGTGGAATTTTCAGGCATATGCTGAGCTTCTTGATGAAGAGGGAATCGA  
AATTCCTGCTTGGTTTTCTTCAACTCCAAGGATGGAATCAATGTTGTTAGTGGGGATTCTATATCTGACTGTG  
CCTCCATTGCAGATGCTTCAAAGCAAGTTGTTGCTGTTGGAATCAACTGTACTCCTCCAGATATATTCATGGA  
TTAATCTTGTCGATTCAGGAGGTCACTGACAAGCCAATTGTAGTTTATCCAAACAGTGGAGAACTTATGATG  
GTGTGACCAAACAGTGGTTGAAATCCGATGGAATGATAGGGGAAGACTTTGTATCATATGTGAGAAAGTGG  
AGGAAGCTGGAGCCTCTCTGTTTGGCGGGTGTGCAGAACCACTCCAAACACAATCAGAGGCATAGCAAAAG  
CGCTTTCTTCTAAAACTTTTTGAGCTCTTTCCTATATTTACAACTTTGATGCCCATGTCTTTGATGAATGCTGA  
AGTTTTACAAGCTTTTTCAAGATCATGCAATAATTTTGAACTGATGGTGATTGATGGTTTCCATAGCAAACC  
AACAAATGGAGGTCGTAAAATTAGAGAGGAAAAAGAGAAGCCTATAATGCTTGAAGACAAAAGCAAGCAGT  
CCATTTCTTAGTGTAGTGTGGGGATGAAGATATGCCAATGTTGTGTAGTCTCCACTTTTAAGTACCTAATTACA  
TCCTTAGGGTTTGGCTTTAGAGTCTCTAAAAAGGGATATTAGAGCTAATGTTTTAGGGTTTCATAATAAAT

>trans\_c\_2376 XM\_002323733|Populus trichocarpa kip-related cyclin-dependent kinase inhibitor 1  
(KRP-1), mRNA

CGTTCGCACTCGTGCCAAAACCCTAGCTCTTCAGCGCCTTCAGAAGACCTCCAATTCTCCCCCTCTCCCTTC  
TCCCACCACCTCCGTTTCTATCTCCAGCTCCGCAGTCGCCGCTTCACAAACCCTCCAGTACTGCTCTTCCGAA  
GCAGAAATTGCCCCAGGGGACTACTAATGCTCGTGGCCGAAGAGTCTCTGCTGATTCCAGAGGAACCACTAG  
GTTGGGGGTTTGCTCCGTTGCTGCTGGTTCTATTGAGCCTGTCTCGCCTCGGCGGGATGATGCGGTTTCAGGAA  
TTGGTGTTAAACAGAGTGAGGTTTCAGGAAAATTTGAATGTTTCATGACATTCAGGAAGAAGCTTCGTTTGGTG  
AGAATCTTTTGGATTTTGAAGTGGAATGAGTAGGGAATCAACTCCTTGCACTTTGATAAGGAAGCCCGAGA  
GCATACGAACACCCAGTTCTTCTACAAAGGCATCGAGTACCACCGATGATAGGATACAGCTGCAGAACTCCTC  
TGCAACAGATGTACCAACCACTCGGGAAGTTGACGATTTCTTCAACTGCGCCGAAGGAGAGCAGCAGAGAAA  
ATTCATTGAGAAGTATAACTTTGACCCGATCACAGACAAGCCAATTCCCGGACGTTACGAATGGGAGAAATTG  
GATGATTAGTCAATTAAACGACGTTCAATCAATATATCAGGACCTATGTTTCTCAATGTACTCAGGTTATGTTGT  
GCTTATAATTGGGAGATAGTCAGATCATCTTAGTTTCTGTACCCTTTTACTTGTAAGAAGTAGGGCTGTACT  
AATGGTCTGTAACATAACAAGAATTTGAATTACACAGCAAATAGAACTCAAAGCCTTCTGTCTAACAGATTGG  
TCTTGGGAAGGAAGGGAAGAGGCTAGAGGCAGGGTGTGTATGGGTTGGTGGTAGGATTTAGGCTTTTGGGT

>trans\_c\_2377 XM\_002871283|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisome biogenesis protein  
PEX1, mRNA

TTTCATTCACTTTTAGAAAATGAGTTATTTTCATTTGACCTATCAGTAAAAGTATATCGGCAACACAAGATTCA  
TTTATTGTGTAAACAAATCAATTCAGACCTTTCCTATGTGTAACCTAACATCTAACTTATTTTGAACAATTG  
TGTTGTACAGCAACAATGGATAAACTCGTAGAAAACAAGAAGGTAAGCAGCTGGTGGTCCTTAAGCTAGAGT

TGCCCTCTTGCCCTTTGCATCCCTAGTCTGAGCAGAGACAGATTTTTTGGCATCGAGGAAGTGTCTGTAAATGC  
CGTACAGTCTTTGCTTCTCAGTCTCTGAACTGATGGTCGTGCTTTGCCTGCAGTTTCCTTCAAAAGAGCATT  
GAAATGATAGGCTTTTGAGCCGGGTCATTAGCATTTACACTATCTAGATGCTCGTGAAGTGGCGCAAGTTGAG  
CATCTGAGAGTAGAGCTTGAAGGTCAGCTCCACTGAATCCTTCTGTATATAAGCGATTGGCTCCAAATCTACA  
TCATTGGCCAATGGCAGCTTTGTTGAAAGAACTGAAGAATATTTAGCCGTTCCACTGGAGAGGGGAAATCAC  
AAAACAGAAGGCGATCCAATCTGCCAGGTCTTAGAAGTGCGGCATCAAGCAAATCTGGTCTACTCGTTGCAGC  
AAAAACAAATACACCGGTTAAACTTCAACACCATCCAATTCAGTTAGAAATTGATTGACTACACGATCAGTCA  
CTCCAGTATTATCGTGCCCTCTCTTTGGAGCAATTGAATCAAATCATCAAAGAAAAGAATGCAAGGTGATGCT  
GCAGTTGCTTTAGAGAAAATATCCCGAACAGCTTGCTCAGAAGCACCAACGTATTTGTTTAAAAGGCAGGCC  
TTTGAATGATATGAATCGCAATGAACAAGCAGCAGCAGCAGCACCAACTATGTGCGTCTTGCCACAA

>trans\_c\_2378 Novel Gene

AATATTTTCCAATAGAGTTGGAATTTGTGTAGATCTCGGCGAAATGAAGCTGCTAGGATGGTGGTTGATGCTG  
GTGGGTTGCTCCGATTAGCTTCCGTTTGGTTTGGATTCTTCGACATATGGGCATTGAGGCTCGCCGCTTCTC  
AAACACTACCATGACTGAAGTTCATGGAAGGACATTCGGAGTGTGGACTCTCCTAATTGTACCCTTTGCATT  
TCTGTGCATTCAACCTTGAGAATAAGCCATTTATTTGGCGACATTTTGTCAATCATCTATGCTTTGGGGCATT  
TCTTAAGTGAATACTTGATATATCATACCATGTCCATTGCAAATCTGACGACGGTTGGCATCTTGCAGGCACA  
TCAATAATATGGATGCTGCTCCAGTGGAATTCACACCAAAGAGTTCACCCCAAACATTCTTAATATGAGTAGAT  
GCTCAAATTTAATCTGCGAACTTATTTCTTCGATCCAGGGCACTGAATAAACAAAGAACATTAGATTAGCCTT  
GAAACACCTTCAACATCATTGTCTGCCCAATATTATTTAACCTGCTTTTGTGGTTGCGGTATAATACCATGCTGA  
TGATGACGCTCTTCAGCTTGACCGAAAATGGAATAATTGAGCTGCCATCACAAGGAAACAAGCCATTTGC  
TTTATGAGGTTTCTTCATTGTAATTTTGTATTTAATAGATTCATGCTCTCACAATTTATTCTGTGAAATCACT  
GACGTGTTCTATCCCCATTGCTGCTGCTATCTTGATGTCAATCCCCCTAACATCCGTTTATTTAACATCTAAG  
AGAGAATTTAACACTTATATTTCTAATTTGTATCGGGTAGTGTTATTATGAGTCAACAGTTTTTGAATATGTTGA  
TAAGGACGATTAGAGAGTATCCATTATGAACAAATGATTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2379 NM\_124490|Arabidopsis thaliana 4-alpha-hydroxytetrahydrobiopterin dehydratase  
(AT5G51110) mRNA, complete cds

AGAAAATAAGAAAAGGAAAACACCCGAGTGTGCTTCAGTCTCATCCTTCAACCATGGCCACAACCTCATCCAC  
CCATCTCCACCTACACCTCCCTCTCCTCCCTCTTCCCCAACCCACCGGCCCCGCTTCTTCCCTACCCACCACC  
CTCCTCCGCCGTAGCCGCCGTTCCGTCACGATCTCCGTGGGAACAGACATACTAGGAGACTTCGGCGCGAGAG  
ACCCATTTCCGGCGGAAATCGAAAGCAATTCGGGGATAAAGTGATCGGATATCCAATACAGAGCACAAGA  
TTCTGATCCCTAATGCCCAGCCTTGGCTCTGTCTCAACAAGAGTGTGTTCCAGTTTCTCGTTGCAGGCTCCA  
ATGGCAGAGGATGAAGCCAAAATGCTCCTGAAGAAGTTGTGGGTTGGAATTGGTGGATGATGGAAGTGG  
GGGATTAAAGCTTCAATGTTTATGGAAATTGAGGGACTTTAAATGCAGTGTGAGCTGATTAATAGAATTTGT  
CAAGTTGTTGAGAACGTTGGCCATTTTCTGATCTTCATTTGGAGCAACCTAACCAAGTTAGAGCTGAGCTTTG  
GACTTCATCCATTGGTGGTTTGGAGCATGAATAATTACATAGTAGCTGCAAAAATTGATGAGATTAACATCA  
GATCTTGCTCCCAGGAAAAGAGCTTGGGCATAAACTCAAACCACTTTTTTTTTTCTTGATTTTTTTTCATATTTA  
ATTTGTATGAATAAAACCTTTTTTCTTCATCTTTTAAATTTCTTTCCTTTAAAGCCTCCTGTATACTAACTG  
TTTGATAATTTGATTTATTTAGTCTGATGATAAGCAATGCCCAAATAAGTGTTGTGATGCTGCTCTACACTTCTT  
CATTTTTGTGAAAATTTTCACTCTAAATTGAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2380 X94304|S.tuberosum mRNA for POM14 protein

AACGGCAAATACTGGCCTCGGGCTGGGCAAACGAAAAAGTTGGACTCATCTTCTTCTCNAGAGTCCAATCA  
AATCAAAGATCCAAAAAGCCACTAAAATCCAAATTTATTTTCGCATTTTAAGTACACTCCAAAAATCTTGAACAA  
TTTGTAGCGGCAAAAATCAGGGACAACCCATTTCTACCACCATCCTCCACTTTCAATCCCTTCTCACACACTATC  
TCTACAACGACACCATGCCTCGCACCGGCTTCGTCGGCTCCTTATCGACCCCAAGGTTGATGTCGTCATCGAT  
ATGGGTAATCCCTTTCTCAACCTCACCGTCGATGGCTTCTTGAAGATCGGATCCGTCGCTGCTACTCGAGCGGC  
TGCTGAGGATGCTTATCATGTTGTTAGAAAAGGAACGATTTCTACTCACAATTTTAAAAATACGTTGAAGAAA  
ATGTGTAAAGAAGGTGCATATTGGGGAGCCGTAGCTGGAGCTTATGTTGGTATGGAGTATGGAGTAGAAAG  
GATTCGCGGCACAAGAGATTGGAAAAATGCAATGATTGGAGGTGCTTTGACGGGAGCTCTAGTATCAGCCGC  
GAGCAACAACAACCGAGACAAAGTTGTTATTGACGCAATAACAGGAGGAGCTGTTGCAACCGCTGCAGAGTT  
CATAAACTATCTTACTTGACACCGAGGTTTACCGAGCATTTTCATGTCCCGTTTCTTGTAACCTCGAGCAAAA  
GAATAATCAGCTTTGTATGATTAGTCTCTCTTAGAGTTGCAGCCTAACTATGAAGAAAAAGAGAAACAAAGA  
GTAATACAAATATCTTTTTCTTCATTAATGAGAGCCACATGTTTTGTTGAGGCTGTAATCGCAGCTATAGTTTC  
ATTGTTATAAAGAACAACAAAAGTATTGGTTAAGTTTTTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2381 Y10990|N.tabacum mRNA for tyrosyl-tRNA synthetase

TTTTTCTCGTTTATCAATTTACCCATCGCCAGCCGTCATTTCCACCCAATCAAGTTTTTTCTAAACCTAACTCCT  
TCGCCGAGCCACACCAAATCCTGAATTTGCAAATATTTGGATCAAGACGAGATTTCAAATTCATTTTGATTT  
GAAAATTCTTTCAAATCAAAAGGTTCCAAGCAGTGGCTTCAATGGCGACAGAAGCACCTTCGCAAGCTCCATC  
CGAGGATTTACAGTCCCTCTCAATCTCAGACGCGAAAGTTCAGGAGCCGGCTTGTTTCATCAAACCTCTCAAACC  
AATTGAGTTTGGAGGAGAAGTACCAAATGTTAGAAAGTGTGGGGAAGAGTGTATTCAAGAAGATGAGCTGC  
GGAACTTGCTTGATAAGAAGCCGGAACCAAGTGTGCTATGATGGGTTGGAACCATCTGGGAGAATGCATATTG  
CTCAGGGAGTGATGAAGGCAATAAATGTCAACAAGCTTACTTCTGCTGGATGCAGAGTGAAAATATGGATTG  
CAGATTGGTTTGCTCAGCTCAACAACAAAATGGGGGGTGATCTGAAGAAAATCGAGACTGTTGGCCGCTATTT  
AATTGAGATATGGAAAGCAGTTGGGATGGATCTGGAAGGAGGTAAGGTTGAATTTTTGTGGTCTTCAAAGGA  
GATTAACCTCTAGGGCAGGGGAATACTGGCCCCTTGTAATGGATATCGCTAGGAGAAACAAGCTTCCAAGGAT  
AATTAGGTGTAGCCAAATTATGGGAAGAAATGAACAGGATGAGTTGACTGCTGCCCAAATTCTTACCCATGC  
ATGCAATGTGCTGACATTTTTTTCTGAAGGCTGACATCTGTNCACTGGGAATGGATCAACGGAAAGTAAATG  
TCCTTTGCAGAGAGTATTGTGATGACATCAAGAGGAAAAACAAGCCCATCATCCTATCACATCATATGTTGC

>trans\_c\_2382 NM\_001054721|Oryza sativa Japonica Group Os02g0760000 (Os02g0760000)  
mRNA, complete cds

GATTTTCTCTCAACTTCTCTCCATTTTTTTCCCGGATGCCAAACACTCCACCAGGATGTCGGGCGCCTGGGATG  
AACACACTGTTACCGATTCCGATCGACAACCCGACTACGATCATCAATATTCCCACTTCAATTCGATTTCTTCT  
CCGCCATTGTAAACCCAAGGATTACTACAAAATTTTGGAGGTCGATTACGATGCTACCGACGATGACATTCGT  
TCCAATTACATACGACTTGCTCTGAAGTGGCATCCCGATAAGCAGAAAGATAACGACGGTGCCACTTCCAGAT  
TTCAGGACATAAACGAGGCATATCAAGGTCAGTTGCGCGCCATAACCCTTTTTTCCCTTGAAGAAAAACGCTG  
CAAAAACAAAAAGTCAGGACAAAAACGAGGCATACCAAGTTTTAAGCGATCCATTGAGAAGGCAGGAATAC  
GACAAGAAAGGGATGCTTTATGTAAATGATGATAACATAGTGGATTACCTCAAGCGGTACAAAAGCCTTATTT  
TAACATGTAATGGCCTCGGTATGAAGTATTCAATTTGGTGAAATTGAAGTTTCCCACAACCTGCAAAAAGGCC  
TTTCTTGGTACGTTTTGGATCTTCCAAGAATGAAAAGGGCTTTGTGATCATGCTACTTGTAAATGATATTGACGT  
GTGAGAGTGATTCTAGAATGGTTAAATATTTGTGTCATTTTCAAATCACTCAGAAAAATGTTTTTAATCAT  
CAAAACCGAAAAACATGTTTAGAAGTGTAACCTAAATATTGAGATGATTTCTAGTGATAAACGGTATGTTTC  
ACGGTGATTTTAAATATGAAAAAATGATCTTAACCATTTCAAATCACTCCCAAATGTGTACTTGTTGTATTAC  
ATGTAATCAAGGGATGGAGGCTTTTTGTTGCGAGGCACCTTTCTGCTTCCCCTCTTCTCTCGCTA

>trans\_c\_2383 EU373016|Gossypium hirsutum gland development related protein 24-like mRNA, complete sequence

ACTCAAAGTTTTCCATTTTTCCCCTATCAAAAACGGACCCTCAAATTTTGGATTAGGGTTCGAATTCTTTGAC  
CTTCAAATTCATTCCGAACGAAGAATAAGTAATGGATCGCACATGTTGTCATGTTTCTCTCGCTTTCATCCTCAA  
ATGCTTCAATTTTCTCAAGCTTTTGTGGGGTTTCGATTATAGTCTATTCTGCATGGATGCTTGATCGCTGGAA  
CCACTATGTTCTGTTTCTCCGCCTCCTCCTGTACCGGCTTTGGCTCCTTCTCCGGCGGCTAGTTCGGTTTCGTTT  
TATTTAAATTCTGAATCAGTCACCGTTGCCGATCGCATCACAGCTATGGATATAGCTGCCGATTTCAATCCTGA  
GTTCAATATGGAAGAATTAAAGCTTGAAGTGAACGCCTTTAAGCTTCCAGCCCCTTGGTTCATCTACTCATTCA  
GGGATTTGGCGTCTTGTGTGTGATTACTTTAGTTGGCTGTATTGCAGCTGAAGCAATAAGTGGCTGCTGCC  
TCTGTTTCTATAACATGCTTATAACGCTATTTATTATCGTTGAAGTGGCTCTGGTGGCATTATTGCAATTGATC  
GCCGGTGGGAGAAGGATCTCCGTTGGACCCAACTGGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGA  
ACATTAATCTATCCAAGTGGATTGGTATCGTTGTGATTCAACCCAGGCGTTGTCTTTGCTGCTAGCAATTATTC  
TGAGATCCATGGTTTCAACCCGTAAACTGAGTATGACACAGAGGAGGAGGTTGGTGTTCGAGATAGAACAC  
GGGAGCCATTGCTTAATCCACCAGCAAATCAAGCTGCTGGTGTCTATTTGACCTTTGGGGCGCCCGCACGAG  
AGAAAAGTATGGATTTAACAACAGTGACAGATACAATTCATCAAACCAAAGTACGTAAA

>trans\_c\_2384 HM122488|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L15) mRNA, complete cds

AGTATTTCTCTCTCAAAATGGAATCACACACCGACGGGAACCCATTTTCCGGCGAGGGGGAAGAAGACGAT  
GAGAAAGAATTTAGCGAGGAGCGGAGCAGTCTTTTGGAGCTTCAACCCTCGTCGAATAATTCATCAGATTCAA  
CAAACAAACCAAGAATTTTCTCATGTAATTATTGCCAAAGAAAATTCTTCAGCTCCCAAGCATTAGGAGGCCAT  
CAAAATGCCACAAAAGAGAGAGAACTTTAGCCAAACGAGTTCAGAAATTCGATTGGGCGGCGGCGATTCTCT  
CTCCACGGCGGCGCGTTTGATCGACGGTCGTCTGGGACCTCACGCTCACTCTCAACAAATACAAAAGCCAC  
CTGCCGTGCGGTTGTTTTTTGGTGGGGCAGGACCCAGCAGTGGTTCTCAGTTGTGGCCTAGGCCAATGTTTA  
TGGGGCAGCAACCGGCGGTGGGGCGGTTGACGGCGGAGCTGGGTGGCCGGAATTTTGGTAGATATGATGAC  
GTGGCTGAGTGGACGGCGATTGGAACGTCAAACGCCGTAATGAGAGTAGGAATAATAATAATAATAATAGT  
AATATTGTTCAATCTCAAACCAACAGGATAAGGATCAGACCAATTTCTTAGATTTGTCTCTTAACTCTAACCT  
TAAAACAAATTATTATTATTGTTGTTGTTATTATTATTGTTATTGATTTATCTAATTGTTAGGTTAATTA  
TTTTTTTTTTTTTAACTTACATATGAAGTTATGTTATTTGTGATATTTATAAATTTATTTAGTGAAAAAAT  
TACATTTGACTGTTTAGAACAATGGATTTTGAATTTTATATTATTGTTGGATTTAGGGTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2385 XM\_002882462|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1974, mRNA

AGTTAAGTTCAGTCGTAGCTCTAGTACAGTTTCCAATTGGACCTTGGTCAGGCCAGGTGATTGTGTTACAACA  
TTAGTCTTCACTGTGGATCTAGTCTTGCTTATCCTCGACACAGCATGCTGAAATTGTGATTGTTTTGTATTTTG  
CATACATTATATGTGAAGTTTCACTGTGCATACAGGTGAGGTTGGTATACAGATCAACGTTGATCTTCCTTCAG  
ATATTGAACTAGTTGAATCATTACATAAAGACAGCATATGGCGACAAGCAAGAGGAACCGCAACTGAAATCTC  
AATCGTCGAGGTAGTAGCTGGGCCCTCCGAGAAGGTTGGTTCTGCTCAACAATGGTATGATGAATTGGATAG  
TCTAGCCTTTTACCGCAAGAATCAGAAATGGTGAAGATAATGTAAGAGCGCAAAATTATATTGGAGACAAT  
AAAGTTCACATTGAGTGTGCTGTCAATACAAGTCCTGGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGA  
AAGGCTTAGAAGAAACCAAGATTTTGAAGGCAATGGGAAGAAACATCTTGAATGAGGATAGCAGATTTTTT  
GTACCGTAGAGGGAAGATAAAAGAGAATTGCATTCAGTTTCTTATAAATAGTAAAGAGATTGAGAGAGCT  
CATTTTTGTGAAGCCTTTGCATGTCAGGATAAAGTTAGATTCTTTGGCTCATCTAAAGCTGAAAATTCCAAA  
GTATTACCCTCACAAAATCCTCAGTTGAAGTTAATGTGTCACTTTCCTCCTAGGTTCACTAATTAATGTTCTGT

ACCAAATGATTGTATCATTATTCTGGTGTACTTGTCTGTTTGATTGTTTTCTTGCTCTATTTCCACTCTATTG  
TTGTAGTGTAGAAAAATAAATGCATACCTTTGTCTTTGGTTGTGCCAAATAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2386 AJ879897|Glycine max mRNA for pyruvate kinase (pk3 gene)

CAACATCCAGGGAAAACCTGTTGTCACAGCAACACAGATGCTGGAATCAATGATTAAATCTCCTAGGCCAACT  
AGAGCTGAAGCCACTGATGTTGCAAATGTTGTTCTTGATGGGACAGATTGCGTAATGTTAAGTGGTGAAACG  
GCTGCTGGAGCATATCCTGAACCTTGCTGTTAGAACAATGGCAAAAATATGTGTTGAAGCTGAGAGCACCCTTC  
ATTATGGTGATGTCTTTAAAAGAATTATGGAACATTCACCAGTTCCCATGAGCCCATTAGAAAGCCTGGCTTCT  
TCTGCTGTTAGGACAGCAAACCTCAGCCAAGGCAGCTCTTATACTTGTCTAACTAGAGGAGGAAGCACAGCAA  
AATTGGTGGCCAAGTATAGGCCAGGAACGCCAATCTTGTCTGTAGTTGTCCCTGAGATTAAGACGGATTCAAT  
TGATTGGTCATGCAGTGATGAAGCTCCAGCAAGGCATAGCTTAATCTTTGAGGCTTGGTACCGGTTCTTAGC  
ACAGCCTCAGCAAGGTCGTCTCATGCGGAGACAACAGAAGAAGCAATAGAGTTTGCTATTACAGCATGCAAAG  
TCCAAGGGCCTCTGCAAAAATGGAGATTCTGTGGTGGCTCTTCACCGGGTCGGTACAGCTTCTGTTATCAAGA  
TATTGACTGTGAAGTAGTAATCATGCCCTTTGAAGATTTTTTTTTTGCATTACCACGATCAGATTAAATCCAA  
TAATTGCTCCTGATTTTCATCATTGTTTACGGGGTCGTTGAGACCACCAGTTTAACTTACGCTCTTTCCTCTGTG  
ATACAGACAATGTCGTGTTACTGGAAACCAAACAGTATGTTTGTTTGAAATAATTATGTTTGTTTCATCAATA  
AATTGTTGCCGTTTGCCAGACATCTTGATGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2387 XM\_002881454|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRPS5B, mRNA

AAGACTTCACCGCATTTCCTTCTCTGAGGCCACGGTCAGCCATTGGAGCAGCTCAATAATCCTTTGACTCCC  
TACTACGGAATCATGGCTGTTGAAATTGATGTGGTAAACCAGGAACTGACCCAGCCTCATCATGATGTGAAGC  
TGTTCAACCGGTGGACCTTCGATGATGTCCAGGTGAATGACATCTCCCTGGTTGATTACATTGGGGTTGCACCT  
GCCAAGCATGCCACCTATGTCCCCACACTGCTGGGAGGTACTCTGTCAAGCGTTTTCGAAAAGCTCAGTGCC  
CAATTGTGGAGAGGCTCACAAATTCCTTATGATGCATGGGAGGAACAACGGAAAGAACTTATGGCTGTTA  
GGATTATCAAACATGCAATGGAGATTATCCATCTTCTAACCAGTCTCAACCCAATTCAAGTCATTGTTGATGCC  
GTTGTTAACAGTGGGCCACGTGAAGATGCTACTCGAATTGGTTCAGCTGGTGTGTTAGGCGTCAAGCTGTGG  
ATATATCGCCTTTGCGTCGTGTTAACCAAGCAATCTATCTTCTTACAAGTGGTGCTCGTGAGGCTGCCTTCAGG  
AATATCAAGACTATTGCAGAATGCTTAGCTGATGAACCTATTAATGCAGCAAAGGGTCTTCAAACAGTTACG  
CAATCAAGAAAAAGGACGAAATTGAGAGAGTTGCAAAGGCTAATCGTTGAGGTTATATTTCACTGTTCTGTTTT  
ATGTGGCATAGCACGAGTTTTATGTTATTTTTCTGTGTGGCCACATTCATCTAATGAACACTATCGTGAAGAT  
TCTCTTTTTGGATTCCTTGTGTTGGGACAGTTCATATCTACTTGGTTTTTTTAGGCTTTTTGAAGTTTTGATGTCATT  
GTGTTTTTCATCTGAGTTAGCTATTGCACGATGTATTTTTGAAGGTCTAGTATAATCTTTATTTT

>trans\_c\_2388 AB021119|Arabidopsis thaliana sigD gene for RNA polymerase sigma subunit SigD  
and spliced variant SigD\*, complete cds

AACGAGGAAGTTGCCGAATCCCTTAAAGTCCGTGTTTCAACCGTAAGACTAGTTATGGAAAGGAGCAAGCGC  
CCAATTTCAATCAATCAACCAGTAAATGACCGAAGTTGTTTAACTCTGCAGGTACTGTTCTTTTACTACAGAGG  
ATGCTCACATTTTATTCTTCTATAAACGTATTGTACAATGAAAACATCTGCAAGGAATGTCACGTATGCAATT  
GCCTTTTGATATTTAGGAACCAGGATTTACTATTTAGGCTCTTCTTCATTTGTTTCGTAATAATGAGTAATCAATGA  
CATTTCCACATGCTCGTCTACAAGTATAACTAAAGCTCTTATCTCCTCTGTTCAATATTTCCAAACGAGAGGTT  
GAACATCAAAGGGACTGCATACCAATAAGATTGGTACACTTGGGGTTTGCTTATTCTAGGTAGATAGCTACCA  
CAGAAAATAGTAGCTAAGTCTATGGTAACGTTTTTGTTCAGTGACTAAGATATGATGTTGAAATACTTCTTT  
GTCGATGTTGTGCAGGAGATCATCCCTGGACCAGACAATTTGACACCAGAGAATATGGTAATGAGAAAAGCTG  
ATGAAGCAAGAACTGAAGAGGCTTCTTAATACTCTTAGCAAAAAGAGAAGCGCACATATTGAGCTTGACTTTG

GCCTCAATGGAGAGATTCTCAGTCCTTTGAGGAGATAGGCAAGTCACTGAATCTCTCTCGAGAGACAATTTCG  
ACGAATCAATATTGCCACATTGTCAAACTAAAGAAGACCAATGTTCTAGACTATATTAAGATTATCTAGTGT  
GGATATTTCAAGCTATGATAAAAAGTTACAAGTAAAGATTGGATTGGATAGACTATTGAAGGATGTTGAAAG  
AGTGTTAATTTTATGCATCAAGATTTAAATCAATCTTGGGTACATCAAAGGAAGTATCTGAACAGCTGC

>trans\_c\_2389 NM\_001073310|Oryza sativa Japonica Group Os12g0484700 (Os12g0484700)  
mRNA, complete cds

CAACTAAGTCATCAAATCAAATCATTTTCATCTTCAAACCAAAACCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCCTAAA  
ACTGTGTAGACAGCTTCAGAGCGGCACATCCATGGAGACACACTCTCCCTCGACTCATCTTCCTTCCCTTAAA  
TTTCTCACTTCACTTTCTAAACCCTATTTTCCTTTCTTAATTAAATTCCCAATTCCTTTTACAGTCGCCAAGCTA  
AGAATGACTTCTCTTCCAGTTTTCTTAACCTCCCACTCTTCTCTCTCTCCATCTCTTCAATTTTTATTTAACTTTCC  
TCAGATTTCTGGGTCACCATTTGATTTCATTGTAGGAGGGGAGGTGTCTGGAGCTCTTCTGCTTGATGATCAAT  
GGCTGAACTGTTGGGGCCTCGTTTGTACAGCTGCTGTAATTGTAGAAACCATGTTGCCTTTCACGATGATATCA  
TTTCTAAAGCTTTTCAGGGAAGGCATGGGCGTGCTTTCTCTTCTCATGCTATGAACATCACAGTGGGACCA  
AAAGAAGACCGACATCTCATGACGGGTCTCCCACTGTTGCTGATGTGCATTGTGTTGACTGCCGTGAGGTGC  
TCGGGTGGAAATATGAGAGGGCATATGAGGCATCTCAGAAGTACAAAGAAGGGAAGTTCATTCTTGAAAAAT  
CAAAAATCGTCAGGGACAACCTGGTAGCATCTCTGGTCGTATTTTAATGCATTGATTTTTATCTTGATGTAAGT  
TTATTGATTCTTCGTGATGTTATCTTGTATATAAAGCTCTCATCTATCTCGTCATTGTTTTCTATTCTCGTGATA  
TAGTATATTTCTTTAAGTTGTGAACTCAATTGGATATCATTGTATTTTGAGTCCTCACCATATGTGTTAATGAAA  
TTGTGGTGCTTAAATTAATCATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2390 NM\_001055882|Oryza sativa Japonica Group Os03g0211400 (Os03g0211400)  
mRNA, complete cds

TACACAGAAAGTGAATCAGAGAATGACTTTTACTATGAAGGAGATGAAATTGGCAGCAGTGAAGCAGAAGAT  
AATGCTTCAAGTGAAGGTGGTGAAAATGGCAGATCTCAAATCATGGGATGTTGCCATCCAAAGAAAAGGAT  
CCTCGATCTACAAAAGTAAGTTTCAGGAGGGGAAGAATTATTGACATCCGTTCTGAGACTAATAGTCCGAGAA  
GGCTTAAATTTAGGCGTGGAAGGTTGTTGACAGAGAATCAAAGGCTGGAGATGGCCTTAGGAAGAACTTCA  
AGAGAGGAAAAGAAGTTGACTGTGAAACCAATACCACAGCTCAAGAACTGTTGTCTTGAGGCACCAAGATG  
TGCAAGGGAAAAAAGATGCGCAGGGCTTGTTTAAACAATGTTATTGAAGAAACCGCAAGTAACTCGTGGA  
CTCGAAAGAGCAAGGTTAAGGCCTTGTTGTTGTCATTGAACTGTGATCTCCCTGCAAGATGGAAAACCTTC  
TCTCGAGTCTTGACACTGTCAGTGATGACTGAGAGTTTGAGCTTGACTTAAGTATCTAACTGATCTGCATAGAG  
TGGTAGGAAATAAAGCTCAGGTTGAAAAAGACTAAATGAACTGGCAAGCTGAGACTGCAGTAGCCATAGAA  
ATAGATTGCTGTTTTTATTGATAGGAAGGTCTCTGTACACAGTTAGATAGTGTGTTGGGTTTTTTTTTATCTTTT  
TCTGGGTAATCGTCTGCTCCTTAATAACCACTGGTTTATACTAAATTGCATTATTGATTGTGAGTTGCACATAA  
AATAAGGGTAGGCTCATGACTTCATGTGTTTTTGATTGACAGTTATCTGCCAACTTTGGATCTTTTAATTGTAA  
GTCGTGACTTTCTTTGGTTGTGAAGGATTTATACTTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2391 XM\_002312763|Populus trichocarpa aromatic and neutral amino acid transporter  
(PtrANT3), mRNA

AGAGATGAAAGACAGAGATCAATTTGGTAAGATATTAGGTACCTCAATGGCGTTTATCCTGCTCTATATGGTG  
GATTTGGGGTTCTGGGTTACTTTGCTTTTGACAAGAAACGAGTGATGTGATTACTTCAAACATGGGTCCTGG  
ATTATTAAGCGCCATTGTAAACTAGGTCTCTGTATAAACTTATTCTTCACTATGCCATTGATGATGAATCCAGC  
TTATGAGATTATTGAGAGAAGATTCTCAAGAGGAAGATATTGTGTTGGCTGAGATGGTACTTGTTGTATTA  
GCAACTTTAATGGCTATGTGGGTTCTAATTTTACAGATTTCTTGTCATTGGTTGGAAGTGGATTGTGCTGTTT

ATTGGGTTTTGTTCTTCTGCATTCTCCATCTACTTGTTTTCAAAGAAGAAATGGGATGGAAAGGATGGTGTG  
TAGATTTGTTCAATTGTTGTTTCTGGGATTGTTCTGGAGTTGCTGGAACATTAGTGCTGTTGAACAGATGTATT  
TTGCTAAAGAATCTTCTTCAATTTCAAGCTTACAAATGGAAGTAGTTTAATTCTCTTGAGGTTTCATTCAAAGAT  
GAAAAATGATGGGGTTGCTCTCTTTTGCTAAGGAACTCAACTTAGCTTCTTCATATCATCCATCTTCATCATGCA  
AAGCTTCAAGGAGATTCATATATCAATGGAGGTTTGATGTTATTTGTTTCTATTTAATGCTTTCAAGAAGGTTT  
AATTATGGAAATATTATGACGTTGAGTATATGTGGTTAATTAAGAATCTTAAGATCTTGTTTATAGTTTTGGCC  
TTTTGGGTATATTATGATGTATTGTAGTTTATACTTCAAATAATTGTACTTTGTATTGTACAATGGATTTTAAATT  
AAAAGTTGTTGATTATTATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2392 EU346699|Casuarina glauca hairpin-inducing protein mRNA, complete cds

ATTTCATTTTATATCATTTTTCTCTCTTTTTTCATCAAAACATTATATGGCTGACAAACAACCCCATCTCAACGGC  
GCCTTTTACGGCCCTGCCGTCCCTCCTCCGGCAAAGACCTACCATCGCCACGGCCACGGCCGAGGCTGCGCCT  
GCTGCCTTCTCACCACCTTTCTCAAGTTCTTCATCGCCATAGTCGTCGTCCTGGAGTAACCGTCTTGGTATTAT  
GGCTCGTATTCCGTCCAATAAGCTCAAGTTCCACGTCACTGGAGCCGAACCTACCCGCTTCAACGTCTCCGGC  
AACCAACTCCATTACAACCTGGCATTAAACCTCACTGTTGAAACCCCAACAAGCGAATCGGTGTGTACTACGA  
CGTCATCGAAGCTTCGCCATATTATAAGACCAGAGGCTTAACACACAATGGTTAACGCCGTTCTACCAAGGC  
CACAAAACCAACCGTCCTCAGCCCCATTTGATGGCCAGCAGATCGTATTTTTCGCCGGCGATAAGCTTAC  
AGAATTCAACGGGGAGACACTTGCCGGCATCTTCGAGGTGACGTCAAGTTCCGTCCTCCGTTGAGGTTGAA  
GGTCGGCGCCGTGAGAATTGGGAAGTTTAAGCCGAAGGTTAACTGTGAATTGAAGGTTCCATTGAAATCCAA  
TCCAAACTCCTTTACTTCCTTCAGACCACTCGCTGCGATTTGATTTCTGATCGAAATCTTTTCGGTTATGACTT  
AGTCAACTCTTTCAGATTTTTTTTGAAGTCACTGATCTGTATTATTATTATTATTATTGTTTCATTTAT  
TTTAACTGCATGTTTTGATATATATTCTTTTTATTGTTTTTCATGTTGATATACTTTATGTTTTCTAGTCTTTTTG  
GGTATTGAATAAACATTCTAGTTCTGTATATTATTCTAATGGATCGGTATTTCATT

>trans\_c\_2393 NM\_125242|Arabidopsis thaliana phosphatidate cytidyltransferase family protein  
(AT5G58560) mRNA, complete cds

TTTGCCCTTTCTTCCCTCACCTCCCCAACTTTCTCTCTCCATTACACCCCCACTTTTCGTTTCTCTCTACTCC  
AATTTTCCCTCCCGCACTTTCTCTTTGAGATTTGCTCCAAAATCCGTCGGAAACACTGCTCAGTTGCCGCAGT  
TATGTTGTTTCTGAAAATCCGGTGGTCTCCGATATCTGCGCCACCGCCTTATCCAGTGGAGTCGCTTTATCTCT  
GCTTCAATTATGGGTGGAAACCGCGAAACGTGGGCTCGACCAGAAATTGAACAGGAAGCTTGTTTCATATAAG  
CATTGGGCTTGCTTTTCATGCTTTGCTGGCCTATGTTTCAGTTCTGGTTATCAAGGAGCAATATTTGCATCTCTAAT  
TCCCGGTGCCAATGTAATACGAATGCTCGTGCTGGGATTCGGGATATTGAAAGATGAGGCTACGTTAAAGTCA  
ATGAGCAGATATGGAGACTACAGGGAGCTTTTGAAGGGACCTTTGTATTATGTTGCAACTATTACATTAGTTT  
GTATATTCTACTGGAGGACATCCCCATTTCAATTGCTCTGATATGCAACTTATGTGCTGGAGATGGGTTTGCT  
GATATTGTTGGAAGACGATTTGGAAGTGAAAAGATCTTTTACAACGAAAACAAGTCACTTGCTGGTAGTGTGG  
CAATGGCAACTGCTGGTTTTTTGCATCTATTGGATATATGTACTATTTCTCCTCGTTGGGTATGTTGAGGCAA  
GCATCGGAATGGCTTTGAGATTCTTAATTGTGTCCCTTGCCTCGGCATTGGTGAGTCTCTCCCATTAAGCACT  
GAGCTTGATGACAACCTCACTGTTCCACTCACTTCATTGCTGGGAGGGAGCCTAATTTTTTAGACTTTTTTGA  
CGACAACCTGGCTTTTCACGATGTGATTGGACATGGAGGATTTCTTACAAATCTATTT

>trans\_c\_2394 NM\_001060984|Oryza sativa Japonica Group Os05g0112000 (Os05g0112000)  
mRNA, complete cds

GAAGTGGTTCTTTAGAATGTGTTGAGAACTTGCCTGGGGAGCAGAAAGATTACAAGTTGATTGAGCTG  
GGAGAATACCCTACACAGTTGCTATGAAGCGCAAGAATCGGGCATGTGCTGCCTTGCTAAATCCTTCAGCCGC

AGAACCTCTTGTCTGGCCATCAAACTGAAATTCATCAATGAGCTAAATCAAGAGGCAAAAGCTCTGCTAGAG  
AGGGCCTTGGTGAAGCAAACATGGAGAGAGAGAAGGCCATTTTGAAGGAGAGTTCCTACTCACCTCCATCT  
CCTTTACAATCTGATGCTGAGTTGGATGATGCAGAATCTGAGGGGTGCGATCTCGAGTTATGCTGCATATGCT  
TTGAACAGGCCTGCACTTTAGAGGTCCATCCTTGTGGTCATCAAATGTGTGCCATTGCACCCTAGCTTTATGC  
TGTTACAAGAAGCCAAATTCCTCGACCAATTGTCTACCACCCCGCTTGGCCCTTTTGTGCGAGCAGCATTACT  
CAACTACTCGTGGCCAAGATCAAGGTGACTGATAATGCAGAATCTGAAATTAATTCATCGAACTAAGGCGGT  
CGAGAAAGTCAAATTTCAGTGAGGGCAGCAGTAGCTTCAAGAGCTTATCAGCTTTGGGGTCAATTGGGAAGA  
TTGGTGGCCATAGTACAGGAAAGTTTTCGGTTGAATGTGACGAGGAGGTCGATAAGAGTTTCTAAGCGGCAT  
ATTGCCTCCCTCACAGTCTTGTGTTGAGCAAAGCTGATTATCCAGTCAACGTATGAGTCTTTGATATGGAAAAAC  
ACCAATTGTTACGTTCTATATCCATAAAAATTTACTTGAATGCCTAAGAAGCACGGCTACAAGCGTCATTGCA  
ATTTCAATCATCTTGAGTAAGTATAAGATGGTCAAAGCTATTGTTCTCGTTTTCACTGAAGTGCAGGA

>trans\_c\_2395 DQ158860|Poncirus trifoliata RING-H2 finger protein mRNA, complete cds

AATCGAGTTGAACTGATCATCAATCTTCTTCAATCTTTACCTTCTCTACAACCTCCACTACTTTTCTTCAATTTTTTC  
CCTTTTCGATCCTACTTTCTCTGTTCTCGAGTCCTAAAAGCAATTGAACTCTGTGGTGAAGAAAGGCTTGCTTGC  
AAATTACAACCTCTAAATCATTGTGTATTCTGATCAATCTACTAATTTTATTCGGGCTGTACCGACTGAGTTTGT  
GAAGTTTGCTTTAAACACGATGGGTCTCTCCAGTCTCCAGCTCCGTCTGAAGGAGTTCTGAACGTGATTCTTG  
TAAACACTGCTCTATCTATTTCTTGTTCAAATGCATTGTTGTTTAATCCTTCACATGGTAGGAATCCGTCTCTC  
ATGGCCATCATCTGTAGTCCCTTCAACAGATTCTTTGAAAGTTCCTCAGAGTTGGGAGATCCCATTTTTGGCT  
CTTCTTGAATTACCTTGACATGTTTCGAAACCGATATCCAAGGATTAGATTTGATAAAGTACAGAGTTCAGAA  
CGTCGTGAACATGACTGCTCGGTCTGTTTAACTCAATTTGAACCTGAATCGGTGATAAATCACTTATCTTGTGG  
CCATCTTTTTCACACAGAATGCTTGGAGAAAGTGGCTGGACTACTGGAACATCACATGCCCTCTTGCAGAACTC  
CTCTAATGTCTGAAGAAGAGAAATCTTGCTTTTGGTAAGTGTGTTAGCATGCTAGAAATCTAGTTAGGGGAAAA  
CTCATGTACAGCATACTCTTAAAGATAATCGTGAGCACATATCCTACCTCCGTGATGACATTTGAAGTTTGATG  
TGTCTGACTGGTCTTAGAGACCAAAGTTTTGTCACTGTAAATACATGTTTATGAAGTTCTATGCTTCTGGCTTGT  
GCCTCTAGCTTTGAGTTAATGTACTATTACTTCACTTTCTTTGTATATGGAATT

>trans\_c\_2396 NM\_001071965|Oryza sativa Japonica Group Os10g0567400 (Os10g0567400)  
mRNA, complete cds

GGTGAAATTTTTAACCCCTGCATCTGGGCTCCAAGGTTACTGGGACCCTTACCCTATAGACATGGAATTTTCGAC  
CACCTTGTATGGTGTTATCGACTATCGGTATCTCCAAACCAGGAAACTAGAAGGCCAAAGTACCAGAGAGTG  
CTCGACACGTCTTCATCAACTTCATGTGTGCTTACCTTCAACAAGACAGAAAACAAGACTATTGTACAGAATGT  
CACTGGATTTTGGCCCTGTGTTGAAGCAGATTCCCTTCATGCACTATCTCTGGAGACACTTTCAGAACAGGTA  
TTGAACGAGGACTTGAGGCTCGTCATTGGTCAGCAAGAGAGAATGGTCAACGGAGCAAATATTTGGAATATG  
CCGGTTTCTTACGATAAGCTAGGTGTAAGATACAGGTTATGGAGAAATGCAGTAGAAGAAGGAGCAAAACAA  
TTACCATTAGCCAATCAACTTGAACATTAATAAACTTAATTAACCTAAAAACATTTCTTAGGACACCCATAAAC  
ACAACCCACCCCCCTTCTTTTTCAAACCTTAAACATTCTGGCTGAGACAAAAAAAAGAAAAAAGACCA  
ACATACCATCCCTCCTATCAGCTTCCACTTTTGAGAAGGATTTTCTCAATTGGACTTTGCAGAAGCTGTAGCAA  
AAAAAGCAGAAAGACGTTGGGTCTTGCCCCCACAAAATCCCCCTGTAAATTAGAAGCTGCTATATAAATT  
TGATCGGTTTTGCCTTTTTTAATTTCTTCTGCTTTGCTTTGGTTTCGCTTCTCCAAAGCTCACCTCCTAAGATCAT  
TGTTTTAGGGTTGTAAAGGCTTGTAAGTACACGAGTATGCTTTGTTCTGTGTATCATCTTCACTAAGAAA  
TTGAACAGTATTAATAAAGATTTTCCATTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2397 NM\_001074146|Oryza sativa Japonica Group Os11g0247400 (Os11g0247400)  
mRNA, complete cds



AAGATACCAGCAATTCAGCCGAACAATGATACAGTCCTGGATATTACAAGGTAAAGTATTGGTAGATGGCAA  
AGTAATCAGTAAAGCTGGAACACCCGTCGCCGATAAAGCTAAGGTTGAGATAATTGCTGAAGTTCCCAAATAT  
GTATGTAGAGCAGGATTGAAGTTGGAAGCTGCCATTGAACAGTTGGATGTTGATGTTAATGGTAAAGTTGCTC  
TTGATGCTGGGTTATCCACTGGAGGATTTACTGACTGTTTGCTTCAGCATGGGGCTTCATTTGTCTATGGAGTT  
GATGTTGGTTATGGGCAGGTTGCTGACAAGATTCGTCGAGATGAGCGTGTTTGTGTGATGGAAAGGACGAAC  
TTAAGATATCTTGCTGGACTTCCTCAAAAAGTTGATATTGTGACTCTGGACCTTCCTTCATCTCTATTCTCTTGG  
TTATGCCTGCTGTGGTCAATGTGATGAAAGAAACGTCAACTATAGTTACTTTGGTGAAACCTCAGTTTGAATGT  
CGCAGATCACAAGTAGGAGGTGGGGGAATCGTGAGAGATCCTCAAGTCCACCAGGAGGTTCTTGAGAAGAT  
CATAAAGGGTGTAGAGAATTTCCGATTCTGCAGCAAAGGTTGGATTGAATCACCATTGAAGGGCGCTGAGGG  
TAATACAGAATTTTTGGTTTGCTTTGACAGGACAACAGTTTCTACTTCGAATCAAGAATAACTTCATCTAGTTTA  
TTATCCTTTCTGCAAACCAGCAGTTTCTAGTTTTTAATCTATGTACTTCACCTCGTACAATGATTGTTTCATCTAGT  
TTTCATTTATTTAATATAAAATGCAGCTATATACAATCCTAAAGTTATGTAGCCACCCACACATTTTACTTATCA  
TGATTGATTATTGTATCAACTGTGGCCAATTCAACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2398 M16057|Cucumber LHCP mRNA encoding chlorophyll a/b-binding protein, partial  
cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTAGACACAATTCTGATCTCATTTAATTTGAATTGAAATGTTACAATGGA  
TGATTTCTTCGTCATTCCATTTCAAACCTCAAATTAGTTGAAAGGGGAAGTGATTGAAGCGCATGAAGCTATAC  
ATTATTTGACTCATTTTCCAGGAACAAAGTTGGTAGCGTAAGCCCAAGCATTGTTGTTGACTGGGTCAGCAAG  
ATGGTCAGCAAGATTCTCTAGTGGACCCTTCCGGTGACGATAGCTTGAACGAAGAATCCAAACATGGAGAAC  
ATAGCCAATCGTCCATTCTTCAGCTCCTTCACTTTGAGCTCTGCAAAGGCTTCCGGGTCATCTGCAAGTCCCAAT  
GGGTCAAAGCTACCGCCTGGGTAGATGGGATCGGTACCTCCCCTGTTGGACCACCGGCAATACGGTATCCCT  
CGACGGCCCCCATGAGAACAACTTGGGAGGCCCAATGGCTAGAATGCTTTGGGCGTGGATCAAACCTTGGGT  
TTCCTAAGTAGTCGAGTCCACCTTCGCTGAAAATCTGAGAACCGGCTTTGAACCATACTGCTTCTCCGAACCTC  
ACACCATTACGGGAAAGAAGCTCTGGGAACACGCAACCCAATGCTCCAAGCATAGCCACCTAGAGTGGATG  
ACTTCAAGTTCACGGTTCTTGGCAAAAGTCTCAGGATCAGCAGAAAGTCCAGCAGTATCCCAACCATAGTCAC  
CGGGGAATTCTCCAGTAAGATAGGATGGAGGCTCACCGGAGAATGGGCCCAATACTTAACACGGTCAGGTC  
CGTACCACGGGCTTCCAGAAGAAACCGACTTGCGGCAGATTTCTCATGTTGACTCTGCTGTTGCCGAAAAG  
CTCGGGGGAAGAAGGCGTAAGTTTCACCGCTTTCCGGCGAGAGAGGGCGAGGATAGAGCCATGGTT

>trans\_c\_2399 NM\_119500|Arabidopsis thaliana ATNAP13; transporter (ATNAP13) mRNA,  
complete cds

AGAAAAAAGGAAAAGAAAAAAGAGGAGTAAACGCGGCAGCTCCCCGTCTCTCTCTCTCCAGC  
GCGCTAACGACGACCAGCCACCTCTCCGCCGGTCAGTTTCCGCCCCACGCCTGCCAACCTCGTACGTCACCG  
CCGCAGCAATGGTTTTGAAGAGTTCTCTTTCAATCTTGTTACGCCATCGCCACCTCTCTTTCCCCTCTCTTCTC  
CAATCCCCCTCCAGGATAAATATTACTGAGAATATAGCCATTGAGGGACGCAATCTCAGCTTCTCGATCACCA  
CGAAGCAGGGCAATTTTGTGCTATTCTTAGGGATTGTTCACTCCGCATTCTTCAGGACAGTTTTGGATGCTT  
CTTGGACCTAATGGCTGTGGAAAGTCCACCCTCTGAAGGTCTTGGCTGGTCTTTGAATACAACATCTGGTG  
AGTATACGTCAAGAAGCCAAAGTGCTTTGTCTTCCAAACCCGGACTATCAGGTAGTTATGCCTACTGTGGAA  
GCTGATGTTGCATTTGGCCTCGGTAAGTTAAATTTGAGCAATGATGAAGTTAAATCAAGAGTTTTGGAAGCTC  
TGAGTGCAGTTGGCATGTCTAGCTACCTTCAGAGATCTGTCCAAACACTGAGTGGTGGTCAGAAGCAAAGAG  
TTGCCATTGCTGGTGCTTTGGCTGAAGCATGTAAAGTGCTTCTACTAGATGAACTGACCACATTTCTTGATGAG  
AATGATCAGATGGGGGTGATCAAAGCAGTTAGGAATTCTTACACAATTCTGAAGATGTTACAGCATTATGGG

TGACCCATCGCTTAGAAGAACTCGAGTATGCAGATGGAGCTATTTACATGGAAGACGGGTAAGTCGTCATGC  
ATGGTGATGTGGCAAGTATCCAAAGTTTCATTCAAACAAAACAATCAGATTATATCAAGCGTACATA

>trans\_c\_2400 NM\_001074844|Oryza sativa Japonica Group Os11g0629200 (Os11g0629200)  
mRNA, complete cds

ATGGAGCTCCAGTAAGAGGTGAATCTATTCCAGTCAGACTCTTTCTTAGTCCTTACGAGCTGACGCCTACGCAT  
CGTAACATCAACAACAAATTCAGTGTGAAGTATTATTTAAATCTTGTTCTTGTTGATGAAGAGGACAGACGCTA  
TTTCAAGCAGCAGGAGATCACTATATATAGGCTTCAAGAGACAACCTGATTCCTCATCTCCAAATACTGTTAGA  
TAAAGTCGGTTTTGGACAGTTGATCACTACTTGGGGCGCTTTTGTAAGCTTTTTATTCTGGAGAATATCTAT  
TTCTTGCCAAGCAAAATGTTTAGCTGCTTGCTTAGGCATGAAATGTCGGTGAGATCATTTCTTTTGTTGCTG  
GTATGTCTAATGTGTTGATTGTAGGAACACGGTTAACAACTGTTGCACATTTCTGCAAGAGCAACAAGATCT  
GATTTTCGGTGTGGTTAATTGTAGATTATATTTGTTATTGTGAAATAAATATTTTCTTCTAAATCCTATTTTGTT  
TTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCC  
CCCCCCCCAAAATTTTTAAACCCCCCACCCCGAGGGGGGGCCCGGGCCCCCATTTCCCCCAAATGGAGCC  
CATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTAAACACCCCCGCGGGGAAACCCCTTGCTACCCCCACTTAACCC  
CCTTGGAACAAACCCCCCTTTCCCCGGGGGGGAAAAAACAAAAGCCCCCCCCGGTTCCCCTCCCCAAAAA  
TTTGCCACCCGAAAGGGGCAAGGGCCCCCCCCCTTTCACCCCCATCAAATCCCGGCGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_2401 NM\_202725|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT3G58030) mRNA, complete cds

ATCCAAAGGACTGCATTTAGTTTCCCGTGGAGGATATGATTGACGATTAGGAAACAGATTTGATTCCAATC  
GTGATCTAGACCAACCGCCAGAGCCAGACAGCTCAAATGAAACCTTCGTTAGATCTCCAACATTGTTGAATAG  
GATTTTAACATCCAGGGGCATTCTGATAGAGAACAATTTTCATTGCCTCATGATGATGTAGGAGATTCAGCACAC  
ACTGATGTGTCTAGCATTGAGACAGGGGAAACACGTCTTCAATCTCTCCAGTGCTTCGATCATTACTACACCG  
GACACGAGTTTCTTCTCTTGCTTCTGCGTTTAATTCTGCTGATAGGCTTCAGAGGGTTTTTTGTATACGGATCC  
GCTCATTCCTAGAAGTCAAGAGCAGCCTCCTCCACCTGTTGAGGATAGAGATTCTTCTCTAGTATTGCTGCTG  
TCATCAATTCAGAGAGTCAAATGGATACTGCTGTAGAAATTGATTCCATGGTTTCCATTTCAACATCATCTCCA  
GAAGGAGAAATGATGCTTTACAAGTTTCGGATGTAGACAGTGAAACTCTCGGGCACCCAGACGGAGAAGAT  
TAGCTTGAGAAGATTATCTGGGTCTAAGATCCATAAATGAATGAGGGCTATAATATTTCAACACCTATGTAA  
GTGCTACTTGGATCTTCTATTTACTTTTTCACTCAGCAAAAAGAATTTAACCCCTTGCTTCGATGATGGACTATTA  
CATGGTCCATATTCAACGGTCTTCATTTTACTGCTTATTGTACGTGAATTGAAATGTTGGCATACTTCTTGAACA  
TATTGAGAAGCAAATAAGTAAACAAGTAGATTATTTTCTTTTTTTCTCCCTCATTTGTAACCCTTTTATGCA  
TCAAAAACCTAGTTCAACATTTTCTTACAAATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2402 NM\_121580|Arabidopsis thaliana RNA-binding S4 domain-containing protein  
(AT5G15750) mRNA, complete cds

ACACTTTTAATTTTCTATACCCTAACATTAAATCTATTGTCTCTCCCAAGTCTCGGCGGTGCGCGTGTCGCCGTG  
ACCATCGCTGCCGTCAACTTCTTTCTCTCTCTTCTGTTCTCCCATCTCCTTCTCAATCCTCTATCTCTACTCTT  
TCCACAGAGATTCTTTTTGTTTGAACACACCGAGACCTTCTTCAGCTGCGAAGTGTCGTGAGGTGAAACAGA  
AGGATGAGGAAGCTAAAGTTTCACGAGCAGAAGCTTTTGAAGAAGGTTAACTTCTTGAATGGAAGAGAGA  
AGGAGGTCACAGAGAAGCCCAAGTAATGCATCGCTATCACATTACTGGACGGGATGATTACAAGAAGTATTC  
GAGCTTGTGCCGTGGTGTTTCAAGCTGGTCACAATGCTGAAGAAGATGAACGAGAAAGACCCTTTTCGATT  
GGAATTGACCGAGAAGCTCCTCGAAAAGCTGTACAATATGGGTGTGATACCAACCCGACAGAGCTTGAATTT

ATGTGATCGCCTGTCAGTATCATCCTTTTGCAGACGGAGGCTATCGACAGTGTTGGTACGTTTGAAGTTTGCC  
GAGCATTTGAGGGAAGCAGTTACATACATTGAACAAGGGCACATTAGAGTTGGTCCAGAGACGGTAACTGAT  
CCTGCATTTCTAGTTACGAGAAATATGGAGGACTTCATAACATGGGTTGATTTCATCAAAGATAAAGAGAAAAGG  
TTCTACAATACAATGATCAGTTGGATGATTATGATGCTATTAAGTGTGAGATACTGTCCAAGTTTTGTTTCTTT  
TTCATTATTTTCATCTTTGTATGAATCTTTTCTCTGGTACTCTTATCGAAATGGCTATTTAAGGTAGCGAAAGTTTT  
GCCCTTTCTTTTCTAATCAATATATATAATTTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2403 XM\_002312437|Populus trichocarpa trans-caffeoyl-coa 3-o-methyltransferase-like  
protein (CAML2), mRNA

ACAACATTTACCGAAATCATCTCACACTTTTCAACCAATAATGGCGAACGATCAGAAAGAAAAGAACATCCTC  
AAGAGCACCGCTCTTCTCCAGTATATTCTGAAAGCCAACTCCTATCCGAGAGAGCATGAACAGTTGAAGGAAC  
TCAGGGTAGCGACGGTCGAGAAATTTAACAAGCCCAAGAGTATGATGAGTGTACCGGTGGATGAAGGATTGT  
TTCTATCAATGCTTTTGAAATTGATGAATGCAAAGAAAACGATAGAGATCGGCGTGTTCACTGGCTATTCGCTC  
CTCACAACGGCGCTTGCAATTGCCGCTGATGGCCAGATAACGGCAATTGATGTGGATAGACAAACGTTTGAAT  
TTGGTTTGCCATTTATAAGAAAGGCGGGAGTTGATCGCAAGATCAAATTTGTGGAATCCCAGGCGTTGGTTGC  
CCTCCGTGACCTCATCAAGAATGGCAAAGAAGAGTTTGATTTTGCAATTTGTTGATGCACTGAAATCAGAGTAC  
ATAGAATATCATGAGTTGCTTCTAAAATTGGTGAAGGTTGGTGGAGTAATCGCCTATGATAACACACTGTGGT  
TTGGATTAGTTGCGCTAAGCGACGACGAGGTGATGAAGGTTTCAGGAAGAACAAGTTCATGTGGAACGGT  
TTAATGCTTTTTTAGTAAATGACCGGCGGGTGGAAATAGCTCTCCTCTCCATTGGAGATGGTGTCACTCTCTGT  
AGGCGCATCAAATAATTTAGGTGCTCTTTCCTTTCAATGGTAATAAAGAAAAATGTGGACGACATTTGATAATT  
AACTTTTATGATTTCACTGTGTTCTTTAAACGTATCGAACCTTTGGAGATCTACTTCTATTCACTTTGTAATCA  
ATAAACACAAGTTAATCGACGAACTAAATCGTTTAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2404 AY968418|Neosomitra sarcophylla 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAGGTTCCACTACCAGAAAGGCCAGTTCCACTTAACAAAAATCTGCATTCCACCCCGGAGACGAAGCACCAAA  
TGCAAGGTTGACTCCTTCTGGATGTTGTAGTCAGCCAGAGTCCTTCCATCTTCAAGCTGCTTTCCAGCGAAGAT  
CAACCTCTGCTGGTCTGGTGGAATCCCTCCTTGCTTGGATCTTAGCCTTGACGTTGTCGATGGTGTGACAGC  
TCTCAACCTCTAGGGTGATGGTCTTCCGGTCAACGTCTTGACGAAAATCTGCATACCACCACGAAGACGCAA  
CACAAGGTGGAGGGTGGACTCCTTGGTCCGTGTTACAAGACGGGTGCAATGGGGAGCCACAGGCCGATGC  
CAGGAGCGCGCAGATGCCGAAGCCCGCCAGAAGGCGCGCGCTGCCAGCCACGATCGTGACGGCGACGTCTC  
CACAGGCGTAACAAAGGCCTGGGCGTAGGCCGCCGTCTCAATCCGCATCGGTCCATGCCCCAAGTCGATTGG  
CGGACCGGCTCATCACCGTTCCACATCCGACTGGGGCACATCGCCGGCCCCCATCCGCTTCCCTCCCGACAATT  
TCAAGCACTATTTGACTCTCTTTTCAAAGTCCTTTTCATCTTTCCCTCGCGGTACTTGTTTGCTATCGGTCTCTCG  
CCCATATTTAGCCTTGACAGAATTTACCGCCGATTGGGGCTGCATTCCCAAACAACCCGACTCGTTGACAGC  
GCCTCGTGGTGCACAGGGTCCGAGCGCAACGGGGCTCTACCCCTCTCGGGCGCCCCCTTCCAGGGGACTTG  
TGCCCGGTCCGCGCTGAGGACGCTTCTCCAGACTACAATTCGGACGTCGAGGGTATTTAGTTCTCAAGCTGG  
GCTCTTCCCGGTTGCTCGCCGTTACTAGGGGAATCCTTGTAAGTTTCTTTCTCCGCTTATTGATATGC

>trans\_c\_2405 NM\_118631|Arabidopsis thaliana ATP4 (ATGP4) mRNA, complete cds

TAATTGCTTCAGCTTCCTTGCTCTTGGAAATTGCTTTTAATTCCTTCTAGGGCACCGGATTTGCTCACTGCGTGTC  
CGATCATTTCAATCTCGGGATCCAACCTTTGTACCTGATTTCAAGGAGCATAGTCAACTCAGATGCCGGAGGAC  
GATTTGATTGACATTAAGTTCAGGCTCTACGATGGTCTGATATTGGACCATTTGATACTCGTCGGCATCCAC  
GATTGATGTGCTTAAGCAGAGAATAGTATCCGATTGGCCCAAAGGAAAAACAATCACTCCGAAGGCAGCCAG  
TGAAGTAAACTGATAAGCTCTGGAAAAATTTTGAAAAATAACAAAACCTGTTGGTCAGTGTAATTACCTTTT

GGTGAGTTCACGGGAGGAGTCACCATAATGCACGTTGTTGTACAGCCATCCCTAGCGAAAGCTAAAACAGAG  
AAAAAGACTGACAATTCGCAACAAAAGATCGTCTGCTCCTGTTCCATACTTTGAAATACAACACCAGTCATATG  
ATTGTTTTGGAAAAGCTAGATCTTCTCTTATTAGAGGGTTTGCAACTACAAGAAGAGGGCTATTTATAGATT  
ACGAAAGGCATTTCATGATTCAGTGACGAGGGTAATTTTGGAGAAAATTGCTAAAGAACATATCCCCATACTTT  
CTCCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAACATTTACTTTTCTTTTAAAAAAAAAATAACAATAATCCTTTAAGTT  
GATTAAGTCATCCTTTTTTATTCTCTTCAAGAGAAAGTTAAGCCATCCTACGAATAGCATTATTTGTAAAAAGG  
AAAATATCTCTGGCACTTGGACGTGGGAGTTCAATTACGTATGGTACTTTATCTGAGAAAGAGAATTGCTTTAT  
TGAATACCAATATCCTATTGAAGCTTAATCATCATCCTTTGTGAAGAACTGTTTCGTTTCATG

>trans\_c\_2406 NM\_001068847 | *Oryza sativa* Japonica Group Os08g0528500 (Os08g0528500)  
mRNA, complete cds

GGTGGATCTCTAGCTTCGACGAAGGATCTCCACCATCTTCTCTCTCTGTTTGCAAATTCAAATTGTGGTGAT  
GTGCAATTGCAGCAAAGCAATGCAGATCTGATCTTCCTTTTCAATTGAGAGATCCACACTCTCAATTTCTTCTC  
CAATTCAGATCCTCCTCTCTACAAACAATAATTCCACCCACGACTATCTTATTAATCCCTTTTTCTTCAATGGGT  
TTGCGTTCAAACCTACTACAACCCTCTCTTCTCTCCTTCTTTTCTCCTCTTCCTTCTTCTTCTTCTCTTTGCCT  
CCATTCAGGTGTATTCTGCGGAAGCGGAGAAGGATGAGTTGGATGGACCTAAAGATCTCGGTGCGAGTAGCA  
AGATTTCTGAGCAACAGTGACACAGTAGCTGCAAAAAAGGATGGTGTGACTCAGAAGATCTTAATCTTG  
ACATGGACTCTATTGGTCTTGGAGTTTTTGACGCATTTTTTGCAAGTTTGTCCATGATAATTGTCAGTGAGATT  
GGAGATGAGACATTTATAATTGCTGCACTTATGGCTATGCGCCACCCAAGTCCATTGTTTTGTCCGGTGCACT  
TGCTGCCCTGATTGTAATGACAGTACTCTCAACCGGTTTAGGTAGGATAGTGCCGAATTTGATATCAAGGAAA  
CATACCAATAATGCTGCTACAGTTTTATATGCATTTTTTGATTGCGGTTACTTTACATTGCTTGGAGATCCAAA  
TCAGAAAAATCTTCAACGAAAAAGGAAATGGAAGAAGTAGAGGAGAACTTGAGGCTGGACAATCCAAGAC  
GACCTTCCGCCGCTTCTTCTGCGATTTTGACACCCATATTCTTGAGTCATTCATTTTGACATTTCTTGCTGAA  
TGGGGGGATCGGAGTCAGATTGACAAATTGCTCTAGCGACACACAAAAATGCACT

>trans\_c\_2407 AY965615 | *Gossypium hirsutum* Rac2 (Rac2) mRNA, complete cds

ATTATATGAATTGCGATATAAACTCGCAATGAAATCCCAACCCCAAATTCACAGCCAAAACCTGAAAAGAAGA  
GAGCGGAGAGGAAAGAGTGAATTAGTGAGAATCATGTGATTACCATACTTTGCCTTGCAACCCTCTTCTCTT  
TTCTCTCATCTCTCTCTTTTTCTCTCTTTTCTTCTACAATCAAACCCATAAACGATTCTATAAACACCAAACGAA  
AAACCCATTTGTTTGTGTTGATTTTCTTGTGTGTGAGCAATTCCTTTTCTAAACGGTTTTAGAGTCTAAGA  
GGTTGTTCTTCCATCTGGATATTGTTTGCTTTTTTTTTGTTCAATGGCTTCCAGTGCTTCAAGGTTTCATCAAAT  
GCGTTACGGTTGGAGATGGAGCTGTTGGGAAGACCTGCATGCTCATATGTTATACCAGTAATAAATCCCCAC  
TGATTATATACCCACTGTGTTTGACAACCTTCAGTGCAAATGTTGTGGTTGAAGGCACCACTGTCAATTTAGGCC  
TATGGGATACAGCAGGTCAAGAAGATTACAATAGATTAAGGCCATTAAGCTACAGAGGAGCTGATGTTTTCAT  
CCTTGCTTTTTCGTTAGTTAGCCGAGCGAGTTACGAAAATGTACTTAAGAAGTGGATTCCGGAGCTTCAACATT  
ATGCACCTGGAGTCCCGGTGGTGTGGTTGGCACCAAATTGGATCTTCGAGAGGACAAATTTCTATTTAGCTGA  
TCATCCTGGATTGGTGCCCGTAACCACTTCGCAGGGTGAGGAACTCCGTAAACAGATAGGTGCGACATATTAC  
GTCGAGTGCAGCTCAAAAACCCAGCAGAATGAGAAATCAGTTTTTGATGCAGCAATTAAGTGTTATCAAGC  
CACCACAGAAAACAAAAGAAAAGAAACGACCACACCGTGGGTGTCTCTTAAATGTGTTCT

>trans\_c\_2408 NM\_001056427 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0307000 (Os03g0307000)  
mRNA, complete cds

AACCTTCTTCATTTCTTATTTCTTCTTCCACATGTTTGGGATTCTCGTGCAAATTCCTATCAAATACTACTATTTCT  
TACCCAGATTCGAATTGGGTCGAGAGATTTCCCGTTGTTAGAGCCTAATTCTACTCGTGGGCTTCAAATTTTTC

CATGGATTTTCGAGTTCGATTTTCGCGAAGAAGCGCATCCAGTTACTGGTGTTCATAATCGGCACCATCGTCCTCA  
GTTTCACCGCGGAGAAATGTGCGCATCTGGTTGGAGAGGAAGCTTCATCCAGAGTGGAAGTTCACATTCTT  
GAATTGTTTTGACATGGGTTCTGGGTCTGTTGCTTGTGGTGTGAAGGAGGGGGTAAACTCTACTTTTATAAC  
ATCCAATCCGCCCATGTTGAGAGAGTACGGCACACAGCACTCGAGACCGCATTGGCCGATGCAATTACTCAGG  
GAATGTCTGCAAAGGAAGCAGCAAAACACGCACAGAAAAGAGGGAGTGAAGGCAGCAAAGCTGGCAAACG  
ACAAGCAAAACGTATCATAGGACCGATCATCTCTTCTGGATGGGATTTTTTTCGAAGCTATATACTATGGCGGT  
ACTGTACAGAAAGGCTTCCTTAGGGGCTCAGGGACTCTTTTTGGCGCATACGCTGGAGGTTTCATTGGCGAAC  
AAAGACTTGGGAGGTTTCGGGTACCTAATAGGAAGTCATTTAGGTAGTTGGGTTGGAGGTAGAATAGGACTTA  
TGGTATATGATGTTGTCAATGGAGTGCATTTCTTGCTCAATTTTGTTCAGGTGAAGAAGAAAGTGAAGTCCA  
TGAAAAGGAGGCAGCCTATGTCGAAAATGAAGCTTCCTGACGGCTCACATGTTTACGATGCTCCTATATAC  
AACAACCTTGAAGATTTTGAAGAGTCATACCACTATGAATCATCGCCTTCGGATGAATCTGTAGATCA

>trans\_c\_2409 NM\_001160830|Arabidopsis thaliana PRP39; binding (PRP39) mRNA, complete cds

ATGGAGAAGTAAGGTCGAAGAACAAAAGCCTTCCAACACCAAAATCCGGCAATCCATTCTCTTTCACTTCTCTA  
TTTGAATATCGCTCTAGTTTCTTTGCTATACATTCTCAACGCCATGGATCTCAACATGGATCTTAATGCTCCTCA  
CTCCATGGGTACCAACCATCATCGGCGTCACATACAAGGGCGGTGTTGTCCTCGGCGCCGATTCTCGTACCAGC  
ACTGGCGTTTATGTGGCTAATCGTGCATCTGACAAGATTACAAAGCTTACCGACAACGTCTATGTTTGTGATC  
TGGCTCGGCTGCTGATTCTCAAATTGTTTCTGATTATGTGCGCCACTTCCTTCATCAACACACGATACAGCTTGG  
CCAGCCTGCGACTGTAAAGTGGCGGCAAACCTTGTTAGGCTATTAGCATATAACAACAAGGATATGTTACAA  
ACTGGCCTTATTGTTGGTGGATGGGATAAGTATGATGGTGGCCGAATCTATGGTATTCTCTTGGTGGAAACAA  
TACTAGAGCAGCCATTTGCTATTGGAGGATCTGGCTCCAGTTACTTGTATGGATTTTTTATGATCAAGCATGGAAA  
GAAGAAATGAGCAGGGAAGAAGCTGAGCAATTGGTGGTTAAGGCCGTTTCTCTTGCCATTGCCCCGAGACGGT  
GCTAGTGGTGGTGTGTCGCTACTGTTACTATAAAATCCGAGGGAGTGACAAGAAAATTCTATCCTGGCGATC  
AGCTACCGCTCTGGCACGAGGAATTAGAGCCTAAAAATTCGTTATTGGACGTGCTGAATGCTTCTAGTCCCGA  
ACCCATGAACATATAAAAGCTAATTCAAGGATCTTTGCCAAAAGTTCTTCTGGTAGGTGTTATCTGGTTAGGCT  
ATTCTACTTTTCTGGAAACAAGAGAATAACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2410 Novel Gene

CTTTTTCATTTTTTTTCAATCTTCCCCAAATTTCTTCTCTCACAGATCCCTCTCCCGATTTTTCTCTTCTCGCAGA  
CCCCTCGCTCAACGTGGCTACCACCCGAACGTCACTGCCGACTCACTGCACTCCTCGCCAAACGGCTCCCTGCT  
CATCGAACTGGTCGTCGACTCGTCGCACCGAACAGCAATTCCTCGGTTCCATCATCTTCTTCATATTCAACTTTC  
TGATCACGGACGTTTCTGCAATTATTGGCAACTGTATTTAATCACTGACGACAAGGATTTCTTCTAATCAATA  
ATAAGATAATGGCTTCTAGTTTGACTGGATCGACGATGAGAGACCCCTTTCAGAGAATCTTATGGGCTACTA  
AATATTCTAGTTGTAGCAGTAGTTAGTAAAATTTGCAATGTGGCTTTGAGAATCTTTATTTTACTGGCTATTG  
ATATTTTTATGTTCACTGATGATTGGCTTATTAATTGAAGTATTCCATAGTTGAGCAATAAGTTCCATTCTATA  
CTAAACTAAGGAAGCTGGCTATTTTTACTTTAGTTTGTGCTCAAATTTTTAAGCAGTTTTAGTACTTATTCATTTT  
CTATTGAACAGTCTCATAGGGCATATGATCAACTGAAGATGGCATCTTCTTGAATTTTGAAGTCTTTTTTTTAC  
TGAATGTGTTGACAAGTATGTTAGAATGAAGGAAAAGCTAGGGAAAATTCTAGATAAAGCAGTTGAGCATGGT  
GAATTATCAAAAACCACTTATTTAGGCCTTGATACATTTTGAGGCAATTCAGTCTACGACAAAGAGAATTGAT  
TATTTAGATTCATTAGTTGAAAAGGTCATAGTGCCCAACACAGAGAAAGCAACGGTCGTGAGTGCTTCAATGA  
GGGAGGAGTCATCGAGCATTTTCTTCGAGAGGAAAGGTGAAAAGCAAGGAAT

>trans\_c\_2411 BT024527|Arabidopsis thaliana At4g14615 mRNA, complete cds

ATCTACCTTTTCATTTTCTAAGTTTAATGAAAGCAAAAAAGAAGAACACAGCAGCTCCCGTCTAGGTCTCTCCCT  
CGCGCGTCGTCGAATCACACTTCTGCGCAGCAGATCGCGTCTGCCCAGTCGTCTCCACCCGTTGCCGCCGGCA  
AGTTTCTGTATTTTCTTCTCCCTTATTTCTTGACCTCACGGTTTTCTTCTACTACACACCACCGTGTCTGTCCT  
CAGCTGTTGCCTCTCTCGCCGCCGTGCTGAATTCGTGGTTGAGGGTTGATTTGAAGATTTTCGAGGTGTTGTG  
CAAGGTGATTAAGGTTGTTTTAGCACTTTTTGGGCATTCTAGGGTTCACGATCTCTGCAGACAAAATGTCCTC  
GATTGGAACATCCAAGGGAATTCTGGAGATCGCCAAGTTTGGGATTTATGTTACTATACCTATCGTTCTAATGT  
ACACCTTTGCCAACAATAGCAAAAACCTGCAGAGATTCATGGGCAAATCTTACATAGTGTATCCTCCCAGGGG  
ACCAAGGCCTCCGTCTCCAGAAGAAGTAAGAGAGATGGCAGCGCAATTGGCTCGAAAGAATAACATTCATCG  
ATGATATGTGGTCTTATGTCTACTGCAATTCAGGTCATATTTCTGGGGTTGTGAGCTATTTGGATTGCATGTG  
TTAGGTTTATATAAGTGATTGATGACTATCATCAACACAGGTGGGATAAAGTAAATAAAGGTCAAGCTCAACT  
TCCTACCTATACGGTTGTGCTTTAGTAGGGAAACAGGAAACCATTTAACCATAAGAGCTATTGCTCAACTGGG  
TGTTATGGTTATGTGATAGATAATGAGATAAATATTTCTGTTTCTATCATTACGATGTCATTGAATTACCAAGT  
GTGCAGCATCCTAATTTGTTTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2412 X92491|S.tuberosum mRNA for TOM20 protein

TTCCAAAATCGCCATAGGGAAGCTCTGTTTCTCAGCTCGGAGCTCAAATCCTACTTCCTAGCTTCTCGTCGGAA  
TCCAATCCCCAACTATGGAGTTTTCTCAGGATGATTTTGATCGTCTTCTTCTTCGAGCACACTCGAAAAACCG  
CCGAAGCTAACTACGCCGCCAACCCTTCTGATGCTGATAATTTGACCAAGTGGGGAGGGGCATTGCTTGAGTT  
ATCTCAATTTCAGAGTGTTTCCGAATCCAAAAATATGATAAAGAAGCTGTTGTGAAGCTGGAGGAAGCTTTG  
GCTATTAATCCCACGAAGCATGATGCTCTTGGTGTATTGGAACGCTCACACTTCACAAGCTTTTCTGACTCCC  
GATAGGGATGAGGCCCAAGTTTATTTGATAAAGCACAGGAGTGTTTTCAGAAGGCACTAGATGAGGATCCT  
GGCAATGAACTATATCACAAGTCCCTGGAAGTCGCTGCAAAGGCACCGGGTTCCATTCGGAGATCCACAAG  
CATGGTACCAGTCAACAGAGTGCAAGGCTTTCAGGCGGGGGAGCTACTGCTGCTTCAAACCCAAAGAGTTCC  
AAGAAGAAGAGCAGCGATCTAAAGTATGACATATTTGGATGGGTCATCCTTGCTGTTGGAATCGTTGCATGG  
GTTGGAATGACAAAATCTCATGTTCCACCTCCTCCTTCGAGGTGAAACTTTTAGATTCTGGAAGTCAAATCCA  
CTCTTCTGAAAAGTCTCTTTGCGGGTATGCCCTCATGGATGTCCCAACAGGCCAGTGAAAAAGAATCTCTTC  
GTTGATGCAGAACACCTGCATTCTCCTGGTATTTAACTCATAAGTGTTTCTCATTTCTAGTGACCTGGGTTAG  
CTTTGAGATCATTTTTGTTTAGTTGAATATTAGCCAAAATCTCAAATATGCTGTAGCATAACAGTC

>trans\_c\_2413 NM\_001185758|Oryza sativa Japonica Group Os01g0887400 (Os01g0887400)  
mRNA, partial cds

ATTTCCCAATCGTTTTGTGAAGTGAGAAAATGGCAAACGCAAATATGCTCTGGAATTCGCTAAGATTCTTGG  
ATTTCTGCTCCGATAGCAAGCAACGTCCGATGGGCAAGGTTTCGTTATAAGTTTCGGTTTCGGCATCATCCAT  
TCGAGGGCTCTTCTTCTTCTTCAACTCCTTGCCTTCAATTGCAGCTCCAGTAATGCAAATTCAGTATGTAGTG  
GCAAAGAGTACTTAGTTTTGTCCGACGAAGAGCTGATGAAACAGTGCGAAATGGGCACGTTCAAGGCGTCAG  
GTCCCGGCGGTGAGCACCAGCAACAAGCGCGAGTCTGCTGTTGTTTGAAGCACATTCCCACTGGTATCATTGC  
TCAGGCTGTTGAGGATCGATCCCAGCATAAGAATCGATCCAGTGCCTTAGCTCGTCTACGTGCTCTCTTGCC  
TAAAAGTTAGGAACCCTGTGGATCTTGAAGATTATTCGCCTCCTCCAGAGCTTCTTCAAATTCTCCTCCTAAGT  
CCACTGTTAGGCCACCGGAATGTGGCCCTCAAATTTGGTCTTAAATTAAGTTTCTGCCGGGCATGCAAGCT  
CTACTGGATCTAATTTCCACACTAGATGGTTCTGTATCAGACACAGCTAAGCTTTTAGGGTTAACTACCGGTGC  
TCTTTCAAGGTTAATCCTATCCGATGATGCTCTTAGAATGGCTGTAAATGATATCAGGATGTCCAAGGGTATGA  
AGCCGCTCAAGTAGATTGGCAATCAAAACAAGCATAACTTAAGCAGTAATTGACATGTACTACTTCTTTGAG  
ATCCTAAGTTTAAATCTTCATCACCACCATGTTAACCATTAAAGTAAATGGTGGGAAGCTCAATGAACCTGTAA  
CCGGAGAGATACTACGCAAGCAACTATCTTCTTACTGTCGTGCTTAACTCAACCGCTCAGG

>trans\_c\_2414 NM\_001052711|Oryza sativa Japonica Group Os02g0194200 (Os02g0194200)  
mRNA, partial cds

CCTTTCTTTTCTTTTCTTTCCATATATTCTTCTTCTCCTCCTTATTAGGGTTTCCACATTTACTTCCTTCCCTTT  
GCTCCATTCTACTTTTCTCCTCCAACATTTCTTCTTCTCCTTTCCAGTATTGAGTCCTGTTCATTTTCTTCTTCAA  
TGGACCTTGACGGTGCTCGCAAGAGGGAAAGAACTGAAACCGCCTTGAATGGCAATGGAGGCTTTAAGAAGT  
CCAAGCCAGAAATGGACTCCTTATCTACTGGTTTAGGAAGCAAATCGAGGCCTTGCACAAAGTTTTTCAGCAC  
TTCTGGTTGCCCTTTTGGCGAGGGGTGTCATTTGCACATTATGTTCCGGGTGGAGTCAAATCAATCTCTCAGA  
TGATCAGTCCGGCACTTCCCCCTGGGATTAGAAATCCAGCTCCTCCCAATCCTTTCCAGATGGTGTTCCTCCA  
GCTGTCAAGACTCGTTTGTGCAATAAATTCATTCAGCCGAAGGCTGCCGGTTCGGTGATAAGTGCTATTATG  
CTCATGGTGAGTGGGAACCTCGGAAGGCCGAACCCACCACAAGATCACGGTGGAATGGGACCAGGACCAATG  
CAACAACCCAGAATGGGTGGTGGCTGGAATGCCCCTCCACCACCACCTAACCATGGACCCGCTGCTAGCTTCG  
GGGCCTCTGCAACTGCAAAGATTAGCGTTGATGCATCACTTGACAGTCCCATTATTGGGAAGAATGGTATCAA  
CTCGAAGAACATTTGTCGTATGACAGGGGGCAAGGCTTCAATAAAAGAACATGAGTCAGACCCTAACCTGAA  
GAACATTGAGCTTGAGGGTACTTTTGATCAGATCAATCTAGCTAGTTCAATGGTACGTGAGTTGATTGCAAAC  
GTTGGAGCTGCCTCCGCCAATAATGCCATGAAACAGCATCAGCATCAGCATCAACATCATTC

>trans\_c\_2415 Novel Gene

ATTTTCCTTCATAGCTTCATCCTCTTTGGGGGCATTCTAGTTTCTTATTCTTCTTCTCAACAAGGAACCAACA  
GGTCAGTCTTCTTCTCCTCGCAGTTCTTACTGTCATGTATAACTTGTTTCACAGAATCATTCTACTTAGACCTCC  
ATCGTCAGTCTTTTCTCACGGATTTTCCGAATGTCCGTTGAAATCTCTCAGATACTTATCCACCTCTTCTGAGATT  
GTATCATCTCCGAAATCTGTTTCGTTGGCCTCTAATGTTGTTGAGCTCGAGAATAATGGGAAGGCTGTACGTGC  
GTTACTTGCGAATCATGGATTCTCTGAATCACAATTCTCTAACCTTGCCAAGAGGTATCCTCGAATTCTTCTGCG  
GAAGCCCGAGAAAACCTACTGCCCAAACCTGTTGTTTTTTCAATCTAAAGGTCTTCTTCCCAGAAAGTTGCC  
AAATTAGTATGTTTCATGTCCTTATATCGTAAAAGTAAATTTAAACAAACGAATTATCCAGCCTTTGATTACCTT  
CAAGCCATGCTTGGAAGTGAGGAGAAGACTCTCGCTGCCATAAACCGCTTTCGCGGTATTCTCGCTTGGGATC  
TTCGAATTTAGTTAGTCCCAATATTGAAAATCTGAAACAAATTGGAGTGCCGGATTCAAATATTTTAAATAT  
CTTCAGGGGCAGCCTAGACATTTCTTAACAAATTCCATCCGATTCAAGGAGACTGTAGAGAGAGTTACGGAAA  
TGGGATTCAACCCTCAACAACTGCAGTTTGTATTGCTGTTTCTGGTCTACGAGCAATGACCAAATCTACATGG  
GATAAGAAGGTTGAAGTTTATAGAAAATGGGGATTGTCTGAAGAAGAGATCTGTTTGGCTTTTAGAAGGCAT  
CCGTGGTGTATGATGCTTCTGAGGATAAGATTAATGGTGCAATGGATTTTTTTG

>trans\_c\_2416 NM\_100835|Arabidopsis thaliana ATRAB11C (ARABIDOPSIS RAB GTPASE 11C); GTP  
binding (ATLAB11C) mRNA, complete cds

GGCGGAGTCTCCATTCGTCTTCATATTCAAAGTGATTCTATTCTGAGGAGGAACAACAAAAACAAAGTTCTT  
CAATTTTCGGTTTCCAGATTTTGGAAACCTAAATCGGTAAACCAAATAAACGAAGAACCAGATTAAGAAAGAG  
AGAATACCGCCAAGATATGGCCCGGAGACCTGACGATGACTATGATTATCTTCAAAGTTGTGCTTATCGGT  
GATTCCGGCGTTGGAAAATCCAACCTCCTTCCCGATTCACTCGGAATGAGTTTTGTTTGGAGTCCAAGTCCAC  
CATTGGCGTCGAATTCGCTACTCGTACTCTTCAGGTCGAGGGAAGGACTGTGAAAGCTCAAATATGGGACAC  
GGCCGGTCAAGAGCGTTACAGAGCAATAACAAGTGCTTACTACAGGGGTGCACTTGGAGCGCTTCTAGTGTA  
TGATGTAACAAAACCAATGACATTCGATAACGTAAGCCGTTGGTTGAAGGAACCTAGGGACCATGCCGATTCC  
AACATAGTAATCATGTTAATTGGAACAAGACTGATCTGAAACACCTCCGAGCAGTGGCGACAGAGGATGCA  
CAAAGCTATGCTGAGAAAGAAGGACTATCATTCATTGAAACGTCTGCTCTCGAAGCAACAAACGTGGAGAAG  
GCTTTCAAACTATTCTTCCGAGATATATCGGATAATCAGTAAAAATCCCTTAATTCAGAGGAGCCTTCTGCT  
GCTAATAACATCAAAGAAGGCAAAACCATTGTGGTTGGTGAATCAGAGGCCAATACAAAGAAGGCTTGTTGC

>trans\_c\_2417 NM\_180297|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein / ankyrin repeat family protein (AT3G23280) mRNA, complete cds

>trans\_c\_2418 NM\_001067499|Oryza sativa Japonica Group Os08g0139000 (Os08g0139000)  
mRNA, complete cds

>trans c 2419 AF521301|Brassica napus phosphatidylinositol synthase mRNA, complete cds

TCAGATTGAAGCTTTTCATATGCAAGATTCCGCCATTGGAGCCCGACTTACTGACGTTCTCATCAAGTTGGTCT  
CCTCGATTTCCAAACCCATTACCATCTCTCCGTTCTCTCTTTGCAGCTTCTTCCCTCTTGGTCTTTCCCTTCTC  
CTCTCCGACTGTTATTCCGTTGCTTGTCTCCACTGTTATGCAAAGAATCCGAATAATAATCGATAAAAGGGT  
AGCCAGCCAGTCAAGGGTTTTATTTATCTGCCGACCCGGGCCAGCCTTTCCCTTCAGGAGTTATAAATTGGT  
TTCTAGAACAGTTCATTTGACTCAGTTTTGAAGTCGTTGAGAACTTCCATGGCTGATAAGTTGGTGAGGAAA  
CAAAGTAAATTGTCTGTGTACCTTTACGTTCCCAATATTATTGGTTATATAAGGGTTCTCATGAACATTGTTGCC  
TTTGCTCTATGCTTCTCAAATAAAATAATTTTCTCAGTCCTCTATTTTGTGAGCTTTGTATGCGATGGTATAGATG  
GGTGGTGTGCTCGCAAATTCATCAAGTTTCCACGTTTGGGGCTGTGCTGGACATGGTAACAGACAGGATTAG



CACTGCTTGTCTACTAGTAATTCTATCCCAAGTATACAGGCCTGGTTTGACTTTCGTATCATTGCTTGCTTTGGA  
TATTGCTAGCCACTGGCTTCAAATGTACAGTACCTTTTTGATAGGCAAAGCCAGTCATAAAGATGTCAAAGAC  
AGCACCAATTGGCTGTTTAAGGCATATTATGGAAATAGGACATTTATGGCTTACTGTTGTGTGCATGCGAGG  
TTCTTTACATTATTCTATTTCTTCTGGCGGAGAAGCAAAATGAGAAATTGATGGATGTTATATTACACTCCATAC  
AACAAAAATCATTCTCTCACTTTTTGGTGTAATTAGCTTGGTCGGATGGGCA

>trans\_c\_2420 XM\_002312677|Populus trichocarpa arogenate/prephenate dehydratase (PDTp),  
mRNA

TGCTCAGTCATCCACAGGCTCTGGCCCAGTGTGAAAACACATTGACAGGGCTAGGATTGGTGAGAGAAGCAG  
TGGACGATACTGCTGGTGCTGCAAAGCATGTTGCTTTTCAAAATTGAAAGATGCAGGAGCTGTTGCTAGCTC  
CGTGGCTGCGTCCATATATGGCTTGAATATACTTGCTGAAGATATTAGGATGACTCTGACAATGTAACCTCGAT  
TTCTAATGCTAGCGAGAGAACCATAATTCCAGGCATTGATAGGCCATTCAAGACAAGTATAGTTTTCTCACTA  
GAGGAGGGTCCGGGAATTCTCTTCAAGGCACTTGCAAGTTTTGCTCTTCGCCAAATCAACCTAACAAAGATTG  
AAAGTCGACCCTTGCCTAACCAACCCTTACGATCATCTGATGATAATGGATATGGATCTTCAAAATACTTCGAC  
TATCTTTTCTATGTGGATTTTGAAGCATCAATGGCTGATCAAAACGCACAAAACGCTCTCAGGCATTTAAAGGA  
GTTTCGCCACATTTTTGAGAGTGCTAGGAAGCTATCCAACGGACACTAGTATGCCATGAGAAGTTACAGCCTCC  
AGAAGACTTGGGCAACTCAGCACTAACCTAGTGGCTAGTGTAGATCGTCTTCTCAGTTCCCAACTTTGAAGA  
GGGATCGTCGGTTGGCTTTAAGATTAAGCTTGTGGCTCTATGGGTGTGTCTCTTTTACATGAAGATTCAGCTC  
GATATCCATAAAACCAGTAGATATGACTTTGTTGGTCATTACAGGTTTAGTTCAAGTTTACTTCTGCAAATTAA  
TTATTCATTTACTCTATAACATTTTGTCTAGAGTTTGGATGTCAGTTTTGTAGTCAATTTTGGTTTGCAAATCTTT  
TGTTAATTAGTTCAACTCACATATGTTGTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2421 NM\_001052153|Oryza sativa Japonica Group Os02g0105200 (Os02g0105200)  
mRNA, complete cds

CAGACAGTATCACAATGTGAACATTAATGTTGCAGTCCAGACTGACAACGGACTCTTCGTTCCGGTCATCAGG  
GATGCAGACAAAAAAGGTTTATCTACTATTTCAAACGAGGTCAAGAACTAGCTCAGAAAGCAAGAGATAAC  
ACCTTAAAACCAGAAGATTATGAGGGAGGCACCTTTACTGTGTCTAACTTGGGAGGTCCATTTGGAATCAAAC  
AATTTTGTGCCATAATCAACCCTCCACAGTCGGGCATTCTTGCTGTTGGATCTGCTGAGAAGAGGGTCATACCA  
GGATCAGGCGCTCAAGGATTCAAGTTTGCTTCCTTCATGTCTGTTACACTGAGCTGCGATCACCGCGTTATCGA  
TGGGGCAATTGGTGCGGATTGGCTCAAAGCATTCAAGGGCTACATCGAGAATCCTGAATCAATGTTGCTGTA  
GATTGATTGATTTACCATTTTTCATAACAGAAAAAAGGTATTTTGTCTCATAAGCAATCATGTGGTGGGAAGA  
TATGAAATACGAACTCAGCTCTTCTTTGGAATTTCTATTTTCGGCTTCAGTTGTATCCTTACAGTCTCCTTCTTG  
GCAACCAAAGGAGATGGAGTTTGCATATAGACTAAAGGGAATAAGGTGATCATCGTTGAGAAATTAGACTTC  
AAAACGAATGTAGCTTGTAATTTGTTTCCTATTTTAAACCAAGCCACATACTTTTCCATTGGTCCATTTGCCAG  
ATCAAAAAAAGATAGACGAAGAGAAAAATTTTGTCTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2422 NM\_001054620|Oryza sativa Japonica Group Os02g0741900 (Os02g0741900)  
mRNA, partial cds

GCACTGGACGGTAGCGGCAATGGAGATGACTTCTCTGTAGGATCTTCTCTCCATTAAGACCACCTTAGGAG  
ATGAATTTCAAGGACAAGTCATTACCTTGACCGCCCCTCCAACATCCTCGTCCTTCTTTGTGATTTGATACAG  
GAGGGTTCTAAGCCAGGACCTCGTAGGAACATAAGGCTGCTGAAGGCCAATTATATTAAGGAATTTTCGTTTT  
TGGGACATGGCGAAGATCCTCTTGATCTCAAAAACGTTACCTCGATCTCAATACTCTCCGTGCCCCGAGAAGA

>trans\_c\_2423 AB158511|Zinnia elegans ZeGSH2 mRNA for glutathione synthetase, complete cds

>trans\_c\_2424 AL161471|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 1

>trans c 2425 GU189580|Brassica napus protein kinase-like protein (PKL1) mRNA, complete cds

AGAAGCACTTGAGCAGGGCTTGGTCAAGGGACAGGGAAGTGCCTGCTAAAAAGGAAGTATGGGAGATTGAC  
TTGTCTAAACTTGATATCAGATATGTTAAAGCTCATGGAACCTATGGTACTATTTACAGAGGAAACTATGATGG

CAATGATGTTGCAGTGAAAGTGCTTGACTGGGGAGAGGACGGTGTTTCCTCAGTCGCTGAAATTGCTGCTCTT  
CGAACATCTTTTCGCCAGGAAGTTGCTGTGTGGCATAAGCTTGACCATCCAAATGTTGCAAAGTTTTATGGAG  
CATCAATGGGGACGTCAAACCTTAAATCCCTCCCAAAGCTCATCATTCGACAGCAACCAAACCTTTTCCTTCA  
AGGGCTTGCTGCGTTGTTGTTGAGTATCTCCAGGTGGAACACTAAAAAGCTTTTAAATCAAAAATAGGAAAA  
GGAACTTGCAATTAAGGTTGTGATTCAACTTGCAATTGGATCTTTCTAGAGGTTTGAGTTATCCACACTCCAAA  
AAGATTGTACACCGTGATATTAACAGAGAATGTTCTGCTAGATGCTCAGAAGACTCTGAAAATTGTTGATT  
TTGGCGTTGCTCGAGTCGAAGCACAGAACCCCAAGGATATGACTGGAGAGACTGGCACCTTGTTACATGG  
CCCCGAGGTCCTTGATGGTAAGCCTTATAATCGGAAATGTGATGTTTACAGTCTTGGTATATGTTTGTGGGA  
AACATATTGCTGCGATATGCCTTACCCAGATCTCAGTTTTGCTGAAGTGTCTACTGCAGTTGTGCGGCAGAATT  
TACGACCGCAAATCCCTAGATGCTGCCCCAGTTCGTTTGCAATATCATGAAAAGATGTTGGGATGCAAATCCA  
GAAAAGCGACCCGACATGAATGAGGTCGTAAAATTGTTGGAAGCATTGATACAGTAAAGGGGGTGGCA

>trans\_c\_2426 DQ987624|Lupinus albus histidine kinase 1 (HK1) mRNA, complete cds

ATTCACTGCCGTTTTACAAACGGCTCGACAAGTGAGTATAACAACACACAACAAATTAAGAACACTTCCATCA  
GTGCAACCTCAGAATTTAAGGGTATGAGAGCCTTAGTTGTGGACCATCAACCCATACGGGCCAAAGTATCGA  
GATATCACATCCAACGACTTGCAATAAATGTTGAAGTCTTATCTGACTTGAATCAATGTCTATCTACCACGACT  
ATTAGTGGTTCGACTGTCAATATGATTTTTGTTGAGCAGAAAATTTGGGATCAGGGTATGAGCACATCGGAAC  
ATTTTATCAAAAACCTTGAGAAATCTTACGCAGTTCCTCCCAAACCTATTTCTCCTTACTAGCTCCATTAGTTCTTC  
AAAAGCTAGCACTATGATCTCTGATGTATTCACTCCCACTGTCATCTTAAAGCCATTGAGGGCAGGCATGCTTG  
CTGCCTCTCTACACCGAGTCATGAGTGTGGGGATCAAGGGTAACCCTCGCAACGGGAGAGCTTCTGTTCTCTC  
ACTCCGCAATTTACTTCTTGGTCGAAAAATCTGGTAATAGATGACAATAAGGTGAATCGTATTGTCGCTGCTG  
GTGCTCTACAGCGATATGGAGCTGATGTGGTATGTGAAAACAGTGGACGAGATGCAATCCGACTGCTTACGC  
CACCCCATCATTTTGATGCTTGTTTCATGGATATTCAGATGCCAGAAATGGATGGCTTTGAAGCTACAAGAAGA  
ATTCGGGAAATTGAACATCGAATCAATGATGGTATCCAAGTCGGAGAATATCAAAAGAAGCATACGAGAAT  
ACGTGTTATTGGCGTGTACCCATCTTGCCATGACAGCAGATGTAATCCAGGCTACACATGAGGAATGTCTTC  
GATGTGCGATGGATGGGTACGTTTCGAAACCATTGGAAGTTGAGAGACTTTACCGAGAAGTTTC

>trans\_c\_2427 DQ372581|Gossypium hirsutum ribosomal protein S7 gene, complete cds

AAGATGGCTGATAAAATGGACAGTGACTATTGCGTAATATATATTTCTCGGCCTCGTCATCAAAAGCGGCTG  
ATCATTTCTCTCCAATTCTAATCTATATGGGGGGCTTGATGGTGAGCAAAAAGAATTGATCAAGAAGTTGGT  
AACTTTTCGCATGAAAGAAGGTAAAAGAACGAGAGTTCGTGCTATTGTTTATCAAACCTTTGAATCGCCTAGCT  
CAAACGAAGGCGATGGAATCAAACGATGGTGGAGGCCGTAGAGAATATAAAGCCCATATGCGAAGTCAA  
AAAATGATGAGTAGCAGGTACTATTTATGATGTCCCTGGGATTGTAGCCAGGGATCGTCAACAAACCTTAGCT  
ATTCGTTGGATCCTTGAAGCAGCTTTCAACGACGTATAAGCTATAGGATAAGCTTAGAGAAATGTTTATTGCT  
TGAGATACTGGATGCTTACCGAAAGAGGGGAATTGCACGTAAGAAAAGAGAGAATCTTCATAGACTGGCTTC  
CACCAATCGAAGTTTCGCGCATTTTCAGATGGTGGTAAAGTAGAGACCACATAATAGATAATAGAATATTTATT  
CCTCATTAGTCAGATTATGAAGTCAGATATGCTTTGACCCAGCCTCCGCTTCTGATATTTGGAGTCTGAATA  
TAGAAAGCCAGCCTTCCTCATACTCCTCCCTTCATTATTATTGAGTTGGAGGATAGGCTTGATGAAGGA  
GGCCCGCCCTTATGCATTGCATGAAAGAACCGAACTTTGTATGACTTCTCTTTTGCCTCAGGAAAAATGAATA  
CGAAAGGGAGATCAATCAAAAAAGAGGCCATGAATTCAGAAGTAGTGGGCCTTTCACCCTCTTCTAGTGACT  
CGGGGAGCTGATCTGAGAAATGCACTTCACTAAAAAAAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2428 XM\_002893119|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata exostosin family protein, mRNA

AACTTGTAATAAACATAAGCAAAAGAGAAGTTTGAAGGAGAAAAGGAAGGAAAGAAAAACCCCTTCAAATTTCTAAATTTTCGGTTCGTCCATGAGAGGGAAGAGACAGCGAGAGTGAGTAAGAAGCCGAAGAATGGCAAGTGTGAACAACAAAGGGAGACCATTTCGGAGCTCACCATAATCCTCCGCTTTGCACTAGGTTCGCATCAGATCGGGGCTTTGCTTCTAGTTTGCACCACCTTCTCCTTACCCGTGCACTCGATCGACTGCTTGTTCCTCCTCCCACAACCCCTTCGATGGATTCCGTCAACCCCACTATGCCGTCCAATCGAACAACGATGGATCCATTTTCGTGGCCGGAAAGAGGTACGGTTCCTCTCTCTCAAGATTTATGTCTACGACGAGACCGAAATTCAGGGGCTCAAAGCTTTGATGTATGGGAGAGACGGGAAGATCACTGCTGCTGCTTGTGTTGAAAGGCCAATGGGGGACTCAGGTGAAGATTCACAGGTTGCTTCTACAGTCAAGATTTTCGGACAAGAAAGAAAGAAGAGGCAGATTTTTTCTTTGTGCCTGCTTATGTTAAATGTGTTAGGATGCTAGGTGGTCTCAATGACAAGGAGATTAACGAAGCTTATATACAGGTTTTAGGTCA AATGCCGTATTTTCAGGCTCTCAGGGGGTCTGACACCATATTTGTTTTCCCAAGTGGTGACAGGAGCTCACTTATTTAAATCTTGGGCGACTTACATAAACCGTTCCATAATTCTTACTCCTGAGGGTGATCGGACAGATAAGAAAGATTTTAGTGCTTTCAATACATGGAAAGATATCATCATTCTGGGCAAGGTGATGATGGAATGACTTCACATGGA AATAAAATAGTCCAGCCTTTTGCCTTGTCTAAAAGGAAGCACTTGGCAAATATTTAGGACGTGATCAAG

>trans\_c\_2429 AY973616|Manihot esculenta cysteine protease CP1 mRNA, complete cds

ACTTGGGAGGCAGATTTCGCTGCTGGTTCAAGGAGAAACAGGACGAGCAACCGGTATCTACCTCGCCTTGGAGATGAATCCCGGACTCTATTGATTGGAGGGCGAAAGGAGCCGTCGCTCCTGTTAAAGACCAGGGTAGTTGTGGAGTTGCTGGGCGTTTCTCACTGTAGCTTCCGTTGAAGGCATAAACCCAGATTGTTACAGGCGACTTGATAGCATTATCTGAACAGGAGCTGGTGGATTGTGACAAATCTTACAACGAAGGTTGCAATGGTGGCTTAATGGACTATGCCTTCGAGTTTCATCATCAACAATGGCGGGCCCCGACACTGAAGAAGATTATCCTTACTATGGATTGATAGCTCTGTATCCAATATAAGAAAAATGCAAGGGTCGTTTCAATTGATGGTTATGAAGACGTCCCTGTAAACAATGAGAAAGCACTGCAAAAAGCAGCATCAAAACAGGTTGTGTCTGTTGCCATTGAAGGAGGTGGTAGAAGTTTCCAGCTATACCAATCGGGTATATTCACTGGAAGGTGTGGAACGGATTGGACCATGGTGTAAATGTGGTTGGATATGTTCTGAAGGAGGCGTTGATTACTGGATTGTCAGAACTCGTGGGGTGCGAACTGGGGCGAAAGTGGCTACGTCAGGATGCAACGTAATATCGATTCCCCAACCGGTCTCTGTGGAATTGCAATGGAGCCTTCTACCCCACTAA AAGCGGACCAAAACCCCCCAAATCCAGGCCCACTCCTCCAAGTCCGGTGAAACCCCCATCTGTATGTGATGAATATTACACCTGTCCCGCCGTGAAACTTGCTGCTGTATCTTGAATTCTCAAATTTGTGCCTTGAATGAGGATGCTGCCCACTTGAAAGCGCCACCTGCTGTGATAACAATTACAGTTGCTGCCCCCATGACTACCCCTCTGT

>trans\_c\_2430 Novel Gene

AATCCCATCACCATCATCATCTTCCCTTCACCATTTCTCTCTATCTTCGTTTTTCATCTTCTTCCCTTCTTCTTGCCTAAATTTTCTCACTCTTCTCGCCTTTTCTTCCGCTTTCTCTCCCTAAATGGCAAATGCAGCATCAGGGATGCTGTGCATGATGATTGCAAACCTTAGGTTTCTGGATTTGAAGGCAAAAAGAACCTACCGTTTTATAGTTTTCAAGATTGAAGAGAAGCAGAAGCAGGTTGTGGTGGAAAAGCTTGGTGAGCCGTCTGAAAGTTATGAGGACTTCACTGCCAGCCTCCCTGCTGACGAATGCCGATACGCAGTCTATGATTTTGATTTTGTCACTGAAGAGAATTGCCAA AAGAGCAGGATTATATTCAATTGCATGGTCACCTGATACATCAAAGGTGAGAAGCAAGATGATTTATGCAAGTTCCAAGGATAGGTTCAAGAGGGAGTTAGACGGCATTCAAGTGAGTTACAAGCAACTGATCCTACTGAGATGGGACTTGATGTTATCAGAAGTCGGTCCGGCTGAATCAAATGCTATGCAACGGCTGGTGTGATTACGCTAAAAATGTTCATAAGAATGTGGGCTCCAAACATGCTCTTTATGAATGCTATATGATGATAATATTGGCTTGTCTTAAAAAGTGTTACCTAAAAGCTTTTAAGGATGATTGGTGTGTTTGGCTTTGGTGGATTTTAGTTGGATGGATAATTTTATATGCAGGTAAATATGGGATCAATGCCAGTTTGGTTTTATCTGGACAACCACTCGGAAAAATTTTCAATGATTTTCGAGTTTCATAGGTTTCGTTCTTTTTTCTATTCAATTCTTCTGGTGATTTTTCATCTGTGTGATGATGATCCTACAAGCCTTATGAATTCAATATGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2431 AF023140|Thlaspi goesingense imidazoleglycerol phosphate dehydratase (THB1)  
mRNA, partial cds

GGGACCGCCGTGGTTGGTCGAACCCCTTTCCAATGGAGCTTTCGGCATCTCCCCGCTACTAAGCTCTCCCACTT  
CGCTGATGCCACTCAAACCCAAATTTGGGTTTAGGGTTTCTCAGATTTCTTCATCGACCTTCCATCTTCACTCTT  
CTGTTTTATCTCTTAAACCCAATTACAAAATGGAATTTACTAGGACAGTATGTTCTGCTTCTTCGTCTGAACGAA  
ACGGGTCACCGGCGGCTATTTCTCAACCGCTTCAGGGCCTCGAGTGGGCGAAGTGAAAAGGGTCACCAAGG  
AAACAAATGTATCTGTCAAGATAGACCTCGATGGTTCTGGGATTGCGGATAGTAGTACTGGGATTCCATTTCTT  
GATCATATGTTAGATCAACTTTCTTCACATGGGCTCTTCGATGTGCACGTAAGGGCCACAGGAGACATCCACAT  
TGATGATCACCACACTAATGAAGATGTTGCCCTCGCTATTGGATCGGCTTTGTTGAATGCACCTGGTGATCGG  
AAAGGAATTTACCGGTTTGGAGACTTCTCTGCTCCTCTTGATGAAGCACTTGTACACGTATCACTAGATTTATCT  
GGCAGGCCACATTTGAGTTATGATTTAGAGATACCTACTCAGAGAGTCGGAACATATGATACCCAGTTGGTGG  
AGCATTTCTCCAGTCTTTGGTGAATACTTCTGGTATGACTCTTCACATTCGACAGCTTGCTGGAAAGAATTCTC  
ATCATATTATTGAAGCCACGTTCAAAGCCTTTGCCAGGGCCCTTAGACAAGCAACAGAGTATGACCCACGTCTG  
TCTTGGTCCGTGCCAGTTCAAAGGGGTTCTATCACGTACTTGATTGGAGAAAAGAACATGCCAAGTTAA  
AACTTGTGCATACGGGATTTTGATTGCAGCAATGTTTCATATGAAAGTGATCACCGCTG

>trans\_c\_2432 AY173934|Cucumis sativus ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast  
gene for chloroplast product

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTAATTCCTATTTCTATTCGGGGCGGAGTAAAAAATATGTTG  
TAAGAATCCTAAAAAAAAGTTCCATTCGAGATTGGACTAAGAAAGGGAAGGAAGAAGGCGAGTCAGTATG  
CTAATGCCTCATCTCAAATCAATCCTTCCCATAGGTTATTGTCCCAACGAATAAGTAATTGTAGGAGTGAAAG  
CTTCGTATAATTCAAAAAAGCAAGAGCAGCAAGTCCAAGTAAATAAAATACGAAAAAAAATACGTAATTTTTT  
AAGGATTAAACAAAAGGATTGCAAAATAAAAGTGCTAATGCTACAACCTAGTCCATAAATTGTTAAAGCTTCCA  
TAAAAGCCAGACTAAGCAATAAAGTACCTCGGATTTTTCCCTCCGCTCGGGTTGTCTCGCGATCCCTTCTACA  
GCTTGGCCCGCAGCAGTACCTTGACCAATCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCGACGGCCAACCCAGCAGCA  
ATAACGGAAGCGGCAGAAATCAGTGGATTCATGATAAGTTCCTCACACCAAAAGAAAGAAATGGTTAATGAT  
ACAATCAACCAATGAATTATAACTTATTATTCCATCACTAAGATTTATCCAATAAAAATTACGAATTGAAGTAA  
TAATATTATTGAATCGTCCAACTACTTCAATCTCTCTTTTTTAGTTCCTATCCATCCACGTAGTTTTTGTGAATC  
CATACGACTTTTGTCTTCCATTTCTTTAAAGCATTCTTTGAATTCTTCATTGTTTTCTTGATTTAATCTCTCTAT  
TCATTCAATATTGAATTCAAATTACATTACAGCCGAAACAGAAGGACTTCCATTGTAAGCCCTATCTAAATTC  
ACAGTAGTAGGGCGGATTAGATATATCTTTAGTTCCTATATACTAGTTAATAT

>trans\_c\_2433 AF451951|Arabidopsis thaliana class III peroxidase ATP32 mRNA, complete cds

AGGAACTTGCATATATATCTCTTTCAATATGATACCAACGATAATGTCGAAATGGATGAGTTTAGTGAGCATTG  
TGTTGTTGGTGGGAGTCAGTTTAAGGTTTAGAAGTGTAATGGGTAAAGTATGGGATATTACTTGATGAGTTG  
TCCCTTTGTTGATCCTATTGTCAAGAATACTGTCAACAGAGCTTCAAATGATCCTACTTTAGCTGCTTCTCTT  
ATTGCAATGCATTTTCATGATTGTTTCGTTGAGGGATGCGATGGATCAATATTAATTGATTCGACAAGAGACAA  
CACAGCAGAAAAGGACTCTCTGCTAACCTTAGCTTACGAGGCTATGAGGTTATTGATGAGATTAAGGAGCAA  
CTTGAACGCCAATGTCCTGGTGTGTTTCTTGTCGGACATTATCGCTATGGCAGCTAGAGATGCAGTCTTTTG  
GGCAGGGGGTCCATTTTATGAGATACCGAAAGGAAGGAAGGACGGAAGTCAAGAATCGAAGACACTG  
TTAATTTACCTTCTCCTTTCTTAAATGCTTCTCAGCTTATTAACACTTTTGCTCAACGTGGCTTTACTCCTCAACAA  
ATGGTTGCACTTTCCGGAGCACATACATTGGGAGTGGCAAGATGCATATCATTCAAAGGGAGACTTGACGGC  
AACGACCCTCTTCTAAGTCCAACTTCGGAAGAGCATTGTCAAGAACATGCAGCAATGGCGATAATGCGCTAC  
AAACATTGCGATGCCACGCCGATAGCTTCGACAATGTCTATTACAATGCACTGTGAGAGGGCGCTGGAGTTTT

GTTTTAGACCAAACATTGTTTGCTAGCCCTCGCACGAGAGACATTGTGACAGCCTACGCCATGAAACAAGCC  
CTGTTCTTTCTGGACTTTCAACGACCATCACAAAAATGGGGTTACTTGATGTGAAGGAAGG

>trans\_c\_2434 AY104320|Zea mays PCO068338 mRNA sequence

ATTTTCACCCCCGATTCAAGCTTTTCCTACCCAATTCCCTTCTTCATTTTCGTCTCCACATCGTTCCGATTGCTGA  
CTGAAACTCTTGTCCACCCCACCAAAAGGGAAGAATCAGCAACGAAAAGTAGAAGGGCAATACCTTCGAATC  
CAATCGAGAAACAACATTCAAGAGTTACGAATACACATTTTCATGCCAGCTTCCGCCATTTAATCAAACCCCTC  
TGAATTGTAAAGTGGGTTTAGAGTGAGGATGGTATTGGTGTTGGCTTTGGGGGATTACATATACCACATAGA  
GCTCCTGACCTTCCCGAGAAGTTCAAGTCTATGCTTGTTCCTGGCAAGATCCAGCATATCATCTGCACCGGAAA  
TCTTTGTATCAAAGAAGTTCATGACTACTTGAAAACTATTTGTCCGGATTGACATTACACGAGGTGAATATG  
ATGAAGAGACTCGCTATCCCGAGACAAAACTCTGACTATTGGACAATTTAAATTGGGACTGTGCCATGGGCA  
TCAGGTTATTCCTTGGGGAGACCTAGACTCACTCGCCATGATGCAGAGGCAGCTAGATGTCGACATCCTTGTC  
ACCGGTCACACCCATCAATTTACAGCTTACAAACACGAGGGAGGTGTGGTGATTAACCCCGGATCTGCAACAG  
GTGCATATAGCAGCATCACCTATGACGTCAACCCGAGCTTTGCTCTTATGGACATTGATGGCCTTCGTGTTGTG  
GTCTACGTTTATGAACTCATTGATGGAGAGGTTAAGGTAGACAAGATTGATTTCAAGAAAACAACCACGACTG  
CTCATTGACTCGAACAAATTGGCCTTTTACAAACATAATGAAGTTCATTTCTTTATGGAGTTGTTGTTGTGAT  
GCCTGTTTAACAATGCTTAATCTTGCTGAAAAGATGCTGTTGTTTCTGTGGTGATTGAT

>trans\_c\_2435 NM\_102223|Arabidopsis thaliana DNA-binding protein-related (AT1G23750) mRNA,  
complete cds

AAGCTTGAGTTTGACGGCTACGCTACTCAAATCAGATCGGCTTCCCTTTTCCCCCTTCGTCTTGCCTCCATCCA  
CCTCTCGTAAAGGGATTAGGTATTCGTTATCGGGTAATGGCAGAATCAAACCAGGACTAAGGAAACCAG  
TATTTACCAAGGTTGACCAACTTCGGCCCGGCACTAGTGCCATACTTTACAGTCAAAGTTGTGAATACGAA  
GATGGTATTGCAGAAAGGTCGTCCTGATGGTCCTCAAGCCCGTCAGATGCGAATTGCCGAATGTTTAGTGGGT  
GATGAACTGGAATGATCATATTTACAGCCAGAAATGATCAAGTGGATTGATGAAAGAAGGTGCTACTATA  
ACCCTGCGCAATGCTAAGATAGACATGTTTAAAGGATCAATGAGGCTTGCTGTAGACAGGTGGGGCCGAGTT  
GAAGTTACTGAGCCTGCCAATTTCACTGTTAAGGAAGATAACAATCTTCACTCATTGAATATGAGCTCGTGAA  
TGTTGTGGAAGAGTGAATTTTGTGATCGTGTTCATTTTCTGCTGCAACCTGACCAAAAAATAAAACAATCAAG  
CTACAAAATCACAAATTTCCGTTGGGGTACTGAAAATGCTCGCAAAAGTTCATTATTAGGGAATAGAATTCTG  
GAGGCCAGTAGTACGAAAGTTGATTTTCATCCCTGCAGCCTATTGGTGGAACCGTTGTTGGGATCTACAAACA  
GGTGGGTAATGGCTTAGTTGATGGAAGAAGGCTTAGCTGGCTTTTTTATTCTTATTTGTCTAGTATTTTATTGC  
TCATGAACACGGTTTATATGATGTTTTGAACTATCAGATGACAAGACTCGCCTTGCTCCGTTAAACTTATGTTT  
ATTTTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2436 NM\_121474|Arabidopsis thaliana cinnamoyl-CoA reductase-related (AT5G14700)  
mRNA, complete cds

ACCACGAAACACATATTTTCTCCCTCCAAATCTCTCTCTCTCTAGATTCTCGTTGTAACCGGCGAAATGGG  
CGTCTTATTTCTGTTCTGAACAGACTTTCGTGTCCGAGATACACCTGCTACGCCGCAATCTCCTCTCCTACGGCG  
GCCTTCAGAGGAGGAAAGACAGCGAACGTTTCAACGCCTTGAAATCCAACCCCATCGTCGATCCTGAGGAGA  
AAGTCGTATGTGTAAGTACGGGTGTTTCGTTTCTGGGTTCCGCCATCGTTGAGGAGCTATCCACTCATGGATAC  
TCTGTTTCGAGTGATTGTTGATAATCCTGAGGATGTTAACAATTGGAAGAGACGACGAGCGGTGCGCCATAAC  
GTGACGGTGGTTGTAGCGAAGCTTACAGATGTAAATAGCTTAGTGGAAGCATTAAATGGCTGCCGTGGCGTT  
TTTCATACCTCTTCTCCATTGATCCTGCTGGTCTTCTGGTTACACGAAAGTAATGAGTGAAGTGGAATGAG  
GAACACAGAGAATGTGATGGAAGCTTGTTCAGAAGACAGAGACAGTACGAAATTGTGTTCTTACATCTTCTCTT

CTTGCTTGCAATTTGGAGGGATCAACATGGTGAAAATGAAACCTCACAAATTGTTGACCATGCTTCTTGGAGCA  
GCTTAGAGCTTTGCCAACACAAAAAGCTATGGCTTGCACTGGGGAACTAAAATCAGAGAAAGTAGCATGGA  
AAATAGCACAAAGAAAGTGGATTAAAACTAGCTACTATTTGTTCTGCTCTCATAACTGGCCCCAACTTTCACCTT  
AGAAAGTCAAACGCAACATTGGCTTATCTCAAAGGAGCTCGAGAGATGTACGCAAATGGTCTACTGGCAACC  
GTGGATGTGACAAATTTGGCCAAAGCACATCTCTATGTGTATGAAAGAATGAAGGACAATGCTGCT

>trans\_c\_2437 FJ882041|Fragaria vesca blue light photoreceptor (CRY2) mRNA, complete cds

GTAACCCACGCTGAATCCGTATTTGTATTTACGATACCCACGATACCCACGCTGTCTCTGTATTTACGATACG  
CACGCTGAAGGCGTTGTCTCTATATTACAGATACCCACGCTGAATCCGTAAAGGGTCTTGAGTTTTTCGAAT  
AAGAGGATGTTGGTTTAAGCAATTGAGGGGACCATGGAATCATTGTGGTTCCTCTCATAGATTTTGATTTCTG  
AGGTGTTGAGAAGGCTTTAACCTTTTTCTCACTGAAATGGATGGTGAAGCTCTGAATCCCCAAATATGGGTT  
GTAACAAGACCATAGTATGGTTTCGTAGAGACCTCAGGATTGAGGACAACCCTGCTTTAGCTGCTGCTACTAG  
GAATGGTTTTGTATATCCTGTGTACATATGGTGTCTAAAGAGAAGGGACAATTCTATCCTGGTCAAGTATCG  
AGGTGGTGGTTGAAGCAATCCCTTGCTATTTGAAACAGTCACTTAAATCACTTGGTGTGACCTAGTGCTGAT  
GAAAACCTCAGAGTACTATTCTCTCTTAGAGTGTATCAATGCTACTGGGGCAACAAAAGTAGCATTTAACTGT  
CTCTTCGATCCCATTTCACCTGTCCGAGACCACAATATTAAAGAAGAACTAGTTGAACTCGAAATTTCCATGCA  
GAGCTACAATGCAGATCTTTTATATGAGCCATAGGACGTAAATGATGAAAATTGGAATGCTTTTACGACCTTC  
AAAGAATATTGGGATAAATGTCATCTTTTGAAAAAGGAGTTGGTTTCAACTCTCCCTCCATGGAACCTACAGCA  
GGCTGCAGGTACAATTCTGACATTACCTATATGTAATAACTGTTGAATAATTCTCCTTGACGATACTTGATAC  
ATCCTCTGGTACTTCTATGATTGATATTTGTAATACTTCTGGAAGATAGATAGTACTAC

>trans\_c\_2438 AY822065|Prunus armeniaca phytoene desaturase mRNA, complete cds

ACACTGATTTAATTTATTTAACTGTGGAATCAAAATTTATGTCCAACATATGGCATTACAATTTGTATCATTGGA  
GCAGCAATGTCTCCATGGTTGATAGTATGTGGAAGTTTTTTTTTTTTTTCCTTCCAAAATTACCCTAGAAGTTCT  
TGTC AACGAACACCAGCCTCGGCAACCCGTCTTTGCTCTCGAGCAACTAGCACTTCATAGTCCTTCACAATAGC  
CTGCGCACAAAGCTTTCCTGAAAGAATAGCACATCCATAGAAGCTAAATACTTTTGTTCGTGTAGTCACCAGC  
TAAATAAAATCCCTCAATGGGAGATCGTTGCAAGGGGCGACATGGTTCACAGTCAGGCACAGTCTTGTAAC  
AGACCTTGGGGTTTTAACACGTGGTACTTCACAATCTTAGCTTTGCTCTGATCAGCAGAAATTTATCAGGAA  
ATAGTTTAGCTAGTTCCACCATTGTGCGCATCAATAATGTCCGAGTCACTCCGAGAAATCCACTCTTCTGCAGGT  
GCGAAGACTAGTTCCAACATGGACTGGTTTGGGTTATAATTCCTTACATGTAAGTACATGTCCGCATAAAC  
ACTAAGAAGCGGACTCCTGCTAAAGAGTAAGTGATCATAGGTATTCTTCAGTTTCCTGTCAAACCATATGTGG  
ACATTGATTACTGGAACCTCCGACTAATTTTTCCAGCTTTTTGAAGTATGGGATTGCTCTCCAGTCATCAGGCAA  
AAGAAGCTTCAGGATATCAACAGGAGTAGCAAATACGTAAGCATCTCCTTCAATTACATTTCCATCGTTTAATG  
AGAACCTCTTCACTGTTCCATCATTGTTCAACTCAATTTTTGTATCCTGGAATTAAGTCGTAATCACCACCCAA  
TGACTGGATATGCTCGACAATTGGCTCACATAGTCTCTCAGGAGGATTTCATC

>trans\_c\_2439 EU373059|Gossypium hirsutum gland development related protein 69-like mRNA,  
complete sequence

AAGACAAAAGAATTTCTTGAGAAGAAAGAAATTGAAGAGTAGAGAAGTGCAGAGCTTCTTCTTCTCTTCTTC  
TTAAGCTGCTTGCAATCTTCTTTCAATTCGTGTTCCACAAATTTCCAATCGAACCTCCTTTTCCGTTAGGACAAAC  
AACCATCTACAATGAGTAGCATTGGCACAGGTTACGATCTTCCGTCACCACATTCTCCCCGATGGACGCGTT  
TTTCAGATCGAGTACGCGAGCTAAGGCCGTCGACAACAGCGGGACTGTTATTGGAATCAATGCAAAGACGGA  
GTTGTTATGGGCGTGGAAAAGCTTATTACCTCTAAGATGATGCTTCTGTTCTAATAGAAGAATTCACGCTAT  
TCATCGTCATTCTGGCATGGCTGTGGCCGGGTTAGCTGCAGATGGAAGACAGATAGTGGCTCGAGCTAAGTC

TGAAGCAACCAACTACGAAAGTGTATATGGTGAACCAATCCCTGTTAAGGAACTAGCTGACCGTGTGCTAGT  
TATGTGCATCTCTGCACACTTTACTGGTGGCTCAGGCCTTTTGGATGTGGTGTAACTCTGGAGGTTATGACAG  
AGATGGACCACAATTGTACATGGTTGAACCATCTGGTGTTCGTACAGATACTATGGTGCTGCAATTGGGAAG  
GGTAGGCAAGCTGCAAAAACGGAAATTGAAAAGTTGAAGCTCTCTGAATTGACTTGTGCGCAAGGGGTTATT  
GAAGTAGCCAAGATCATTTATGGAGTACATGATGAGGCAAAGGACAAGGACTTCGAGTTGGAAATGAGTTG  
GATCTGTGATGAATCAAACCACCAACATCAGAAGGTCCCGGAGGATCTCCTAGAGGAAGCAAAGGCAGCTGC  
TAAAGCTGCCCCCTGGAGAAAAGGATGCTGATTAAGGAAATTTATAGGCGTTTCTACTGTGTTGCAAT

>trans\_c\_2440 Novel Gene

AGCCCTCAACTTTGCTCTTCTCACTGACTAAATCCACTCTCAAACCTCTCCAAATTTTGCTTCATCGGCAACCATAA  
TGGGGAAGGACGACGAAGAGATGCGTGGAGAAATGGAGGAGAGGCTGATAAACGAGGAGTACAAGATTTG  
GAAGAAGAATACTCCATTTCTTACGATTTGGTTATTACTCATGCCCTAGAGTGGCCTTCACTCACTGTAGAAT  
GGTTGCCTGACCGGGAGGAACCTCCTGGCAAGGATTACTCCGTTGAGAAGATGATTTTGGGGACTCATACCTC  
CGAGAATGAGCCCAATTATCTCATGCTCGCTCAGGTTGAGCTTCCGCTTGAGGATTCCGAGAACGATGCGCGT  
CATTACGATGATGATCGTGCTGATGCGGGTGGCTTCGGGTGTGCCAACGGCAAGGTACAAATAATCCAGCAA  
ATAAATCACGATGGCGAAGTCAATAGAGCCCGTTATATGCCTCAAATCCATTTATAATTGCTACAAAGACTGT  
CAGTGCCGAAGTTTTTGTGTTTTGACTATAGTAAACATCCATCCAAACCACCTCTAGATGGTACATGCAATCCCG  
ATTTGAGATTGAGGGGTACAATACCGAAGGTTATGGTTTATCGTGGAGTAAGTTCAAGCAGGGCCATTTACT  
AAGTGGTTCTGATGATGCACAGATTTGTTTATGGGACATCAATGCTACTCCCAAGAACAAAACCTTGAGGCT  
ATGCAAATTTTAAAGGTTTATGAAGGTGTTGTGGAAGATGTTGCATGGCATCTTAGGCATGAATACTTGTTTG  
GTTGAGTAGGTGATGACCAATACCTACTCGTATGGGATTTGCGAACTCCTTCAGCTAATAAGCCCGTACAGTCT  
GTAGTTGCTCATCAAAGTGAGGTTAATTGCTTGGCATTCAATCCCTTCAATGAGTGGGTTGTAG

>trans\_c\_2441 Novel Gene

CTCTCTCTCCATTTCTCCTCTTTTTCTGGGGTTTCTTTGCTTCTGCGAGGTCCACCAAACCTCGTAGCAACAA  
AGAAACCCAATCCCATTTCTCCAAAAAAGAAAAAAGTTTATCATGGGTCTTCAATCTTGTAAGAGC  
CAAGAGACTTTGGAATGTCTTGAAGGTGACACTCATTCTAATGGCAAGAAAGGGTTTGATCTCAAAAAGGAG  
GTTTCATCATGGACATGAATTTAATGGTGAAGAGAGGGAAGGTATTGAGAAAATCTGTTACCAATTATTTATG  
TTCCATCACCATCACAACCACTCGAGCCATAGAGATATGACATGTGGCGTTTCGGCATAACAGGATTATGAAT  
TCTCTTGCAAGTAACTCCCATTAATTCTGTTTTTTCCACATGTCAAAGCGCAGCACCAAATATCAAACCTTAC  
TTCCCTTGATAAACCTTCCAGTAGAGATGGAAACAAGACGACAGCAACAAGACGATGACGAAGAAGAAGAA  
GAAGAGGAAGAAGATTTCGTACCAAGAAGCCAAGGCAGATTCTTATCTACTCATGACTCCTGAGAACACATTAA  
ATAATCATTTGCAGTATAATGGTTGTAGCTTTGCTTTAAGTCCTGCAATGGAGGCCGTTTCGCCGTTCAATGTA  
CGGATATCGAACTATTCATCTGAAGAAGAAAACGAAATTAGCAGTGAAAGTGGACAAGTGGATAATCAAGCT  
GAGGAGTTTCATCAGAAGGTTCTATGAACAGCTGAAGATGCAAAAACGCCTGCAATTACTACAATATAACTAAT  
TTAATTAAGCTAATTCATTTCCCTTCTGATGTGTGATTTACAGAATATCCAACATGTTATTCTTTCAATGGTTA  
TGACAAATAATAAATCAGGTTTTTTCTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2442 U89841|Lupinus angustifolius diadenosine 5',5'''-P1,P4-tetraphosphate hydrolase  
mRNA, complete cds

AAAGCGCGAAGCGTTGGATGAACGCTCCAAAGAAATGGCCTTAAACCGATATGTCGTTTTTAGTCATTCATT  
TTTCACTATCGTCGTCCTCCTCCATTTTTCTCATCTGCTCTGCGTTGACCTCCTCGTCCATGGAAGCTCCTCCCG  
CAGGATACCGCAAAAACGTTGGTATTTGCCTCATCAATCCGTCTAAAAAGATTTTGTGCTGCTCAAGGTTGGAT  
ATACCAGATGCCTGGCAAATGCCTCAGGGCGGCGTGGACGAGGGTGAAGATCCAAGAAGTGCAGCCATTAG



AGAACTTAGAGAAGAAACAGGAGTCAAATCCGCAGACATTATTGCTGAAGTACCTTATTGGGTGACTTATGAC  
TTCCCACCACAAGTTCGTGAAAACTTAGGCAACAGTGGGGTTCTGACTGGAAGGGTCAAGCACAGAAGTGG  
TTTCTGCTGAAGCTGACGGGAAGTGATGAAGAGATCAATCTTCTAGGTGATGGGACCGAGAAAGCCGAGTTT  
GGCGAATGGTCATGGATGTCACCTGAAGAAGTAGTAGAACGTGCTGTAGATTCAAGAAACCTGTATACAAG  
GACGTGCTAACGGTATTCAAACCCCATCTCGACTGACATTGTTCTGTTTCATAAACATTTATTCTCGTCCCTTC  
AATAATGTTGGTTTTACTTGTCCAATGAACTAAATATTTATATACAAGGAAGCCATGTCGAGCTGCGGCGATAT  
ATCAAACCAGCTCGATTGGTGGAATTAGTTTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGACTATTGGAAATAAGTTTCATGCTTCATTTTATAGCAAAAAGCTCTCATG  
TTTGAGAATAAACGATACTTTCTTGAATGGGAACAAGACTTTAGCTAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2443 NM\_125821|Arabidopsis thaliana 2-nitropropane dioxygenase family / NPD family  
(AT5G64250) mRNA, complete cds

AACCCATTATTGCCCACTCAACACACAGATTCAGATGAGTTTTGGGGGATTACTTGGTTTTCAATATGGCATAG  
TTCAGGCTCCGCTTGACCTGATATCTCCGGTCCCGAACTCGTTGCTGCCGTTGCCAATGCCGGTGGACTTGGT  
CTTCTCCGAGCCCCGATTGGGAGTCACCTGATTATGTACGAGAATTGATAAGGAAGACCCGAGCGTTAACGG  
ATAAACCATTTGGAATAGGTGTCAATTTAGCATTTCTCAGAGCAAAATCTGAAGGCCATATTAGATGAGAA  
AGTAGCTGTTGTGCAAGTTTACTGGGGAGAATGTTCAAGGATCTTGTGGATCAAGTTCATTCTGCTGGGGTG  
AAAATTATTCCACAAGTTGGGAGTGTTGAAGAAGCGAGTAAAGCAGTTGATGCTGGCGTTGATGCAATAATT  
GTGCAAGGTCGGGAAGCAGGAGGACATGTTATTGGTCAAGAAGTTTGATTTCCATCTTACCAAGGGTAGTT  
GAAATTGTTGGGAATGAAGATATACCTGTAATTGCGGCTGGCAGTATTTAGATTCCCAGAGTTATGTTGCTG  
CCCTGGCCCTTGGCGCTCGTGGTGTCTGCCTTGGAACTAGATTTGTTGCTACTGAAGAAAGCCATGCTCACCCT  
ACATACAAGAGGAAGTTGGTGAAATGGAAGCAACCGACTATACAAACATTTTCGGCCGCGCAAGATGGCCT  
GGTGCGCCACAGCGCGTTCTACAGACTCCCTTTACGATGATTGGAAGTCACTTCCTGCCAATGAAAATGAAA  
GCAACCAGCCTGTCATCGGGCGCTCAACAATTAATGGCTTGACATAGATATACGGCGCTTTGCGGGTACTGT  
GCCAAATGCAACGACAAAAGGTGACATCGAGAGCATGGCAATGTATGCAGGGCAAGGAGTANGACTG

>trans\_c\_2444 GU065692|Populus trichocarpa TCHQD class glutathione transferase TCHOD1  
mRNA, complete cds

AGAGAACGTCTTTCCAACAAAAATTTCTCACTTTTGCCTTCAAAAAGACCCCATCGATTCTCTCGACCCTTT  
TTCTGTGCTTTATCCGTGCAGAACAGTAACCCAACTGCGAATTTGAGGTCTCCAATGTTAGTTCGTTTCAGCAGG  
ATGCTTTCTGGGTCTCTGGCTTGAGGGATTTTAGCTTAACTTTTCCCATGGATTTCGGGGTGATTTGTTAAGCC  
ATAAACCAAGAGGCAGTATCCAAGAACTGTCTTGAAATTTCAAAATAAAGCTGATGTTAGTAACTAAGCAAT  
GCAGTTATATCATCATCTTACTCTTTGGATAGCCAGAAGGTGAGACTTGCCTTGAAGAGCAAAGCATTGAT  
TACACATCGTATCATGTCAATCCCATCACGGCCAAGAACATGGACTCTTCATTCTTCAAGATCAACCCAAGTGC  
TAAACTTCCCGTCTTTCAAATGGTTCCACATTATTTTCGACACAATTGAGATAATTCAGTATATAGAGAGAAT  
TGCAATTGTCTCTCAGGGACCGACGACATAATGCCAAGTAGCAGGGAAGTTGTTGAATGGATGCATAAGAT  
ACAACAATGGAATCCAAAATTTTCACTCTTTCCCATATCCCTGAGAAGTACCGCCTTACTGTCACCAGATTTAT  
AAGGCGAGTGGTGATCGCTCGCATGGCAGAACTCCCGAAATGGCTGCTGCTTACCATCGTAAGCTGAGAGA  
AGCGTACGACACTGAAGACAAATTGAAAAACAAATCTGTTGTCAAACAAAGCACTGACCATCTAGTTGCACTT  
CTTGACGAAGTTGAATCGAACTAAGTGAACTTCTTACTTAGCAGGGGAAGAGTTCACCACGGCTGATGCCA  
TATTCATTCCAGTGCTGGCTCGACTCGAGCTATTGAAGCTGGCAGATGAATATATAGGCA

>trans\_c\_2445 CP001329|Micromonas sp. RCC299 chromosome 9, complete sequence

ATTCATTCCATTTCATTTCATTTCATTTCCTTTGTGTGCTATTCGTAAATTCGATCAATCCTCTCTTCAAGACGCC  
GTGAGAAAGAGGACCAATCTCGAAGCTCCACAGTTTCGTTCAATTCATTACGTTTCCAGTTCCAAAAGTCGCCT  
CCTCTCAATCTCTGATTATCCTTGTTTTCATCTTTGTAGCGATCTTCAATTCCTCTCTGAATCCATCGGTGTCCTT  
TGCTTCCATCCACCAGGAAGAAGAGGACAGTTCGACGTTTGTAAACATCGTTTATTTGTTTCGTCCTTGAACCTG  
ATACTTTACTCCACTAGCTCTGAAAATGTTTAGCTGGTGTATTGTTGATGACGATAACTTGATTCTATCTGTATA  
TGGATTTTCTGAATAACATCAATCAATATATCAGCTGTAAATTGAAATCTAACGTTGTAAGTTAAAGAAGAAAT  
CCTGAATCCGTACTTACTAAGCAAATCCTTCAATTCAGAAACCAACGTCAGGATTAAGTGTATTTATCTTGCATC  
CGTCTCTGATATTTGGTTTTTCTAGTTCTGCCTTTACCTCGATGCACTGAGATTTGTGTTGCTCGCGTACAGCCA  
ACTCTGCTCATTTATTGTAACGAAAATACGAAGTGATGGAATTAGCTCAGTTAGAGGCATTGTGTGAAAGACT  
TTACAATTCTCAAGACTCTGTGGAGCGAGCCCATGCTGAAAACACTCTGAAATGCTTCTCCATGAATACTGATT  
ACATTTCCAGTGTCAATACATTCTCGACCATGCATTGACTCCCTATGCATTGATGCTTGCAGGTTTCAGCTTGC  
TGAAAACAGCCACCGATCATAGCCTAGCCCTGGCACTCCCGTTAGACATTTCGAGGCTATCTTTATAACTACTTG  
GCCACTAGAGGGGCTGATTTGCAGCCTTTTGTGAGTGCATCTTTAA

>trans\_c\_2446 L33792|Senecio odorus lipid transfer protein mRNA, 3' end

AATGGTTTATATACGTTATATGAAGAAGGGAATATCATACACAATTGGTGTCTCCATATTCTTTTGATCTCTTTA  
CTAAGAGTAGGAATTCATGTCGTTTGGAGTTCTTATAGCAACATGCTTTTCTTAACAAGAAACCGAAGGATTCT  
TCAACAAGGAGTTGATTTCAAACAAATTGATATGGAATGGGAATGGGATAATTTCTTGTTACTTGAAGCTTTA  
ATGACTTCCATGATGGTTTATTTGTTCCCTTCACTTGGAAATCTTCTCTTTGGAACACAAAAGGGTTAATCGCA  
CTTCTGATTCTCCATATTGTAATTGCAGAGCCATTGTTTTACTTCTTCCATAGATTATTTCACTCCAACCATTATC  
TTTTTACTCATTACCATTCTTTCATCATTCTTCTCAGTCCCACAGTCTTTTACAGCTGGAAATGGGACAGTTCT  
AGAACATCTTGCGTGGAGTATCGTAATTGGAGCACCAATTGTTGGAACATTTCTTCTAGGATATGGATCGACT  
GCTACGATTGCTTGTTACGTTTTGGTATTGATTTTCTCAGATGTTTAGGGCTTTCCGATGTTGAAATTGTCTCA  
CATCGGTTGTTTGATGCAATCCAGTTCTTTCGATATCTTCTACACCCCAACGTACCATACACTTCACCATACA  
GAGAAAGAGACTAATTTCTGCCTCTTCATGCCTCTCTTTGATGCTATTGGAAACACACTTCATGAGAATTCATG  
GAAATTACATAAGCAGAATAGCTTAAATGCAGGCAAAAATGGGAGAGTTCCTGATTTTCGTATTTCTAGCCCAT  
GTGGTGGATGTGACTTCATCAATGCATGCTCCATTTGTATCAAGATTCTTTGCTTCACGTCCCCCTTTGTACAAAA  
TTGTCCTTGTTCCCATCTTGGGCCGTTGCCTTCATTGTATGCTCATCAT

>trans\_c\_2447 NM\_001049855|Oryza sativa Japonica Group Os01g0555300 (Os01g0555300)  
mRNA, complete cds

AATTAAACCGCCATTACCAGATCCTATTTCTTCCATCTCCACCGTCTGAATTTGTTTTTTTTTCTCTCTCTCTCGA  
GTTGTCAACAATGGCAACCTCCACGCCATCGTCGACATCAACGGCATCAAAGAGTTGGGTCAGGAATCTTTCT  
TCAATTGCGTCTCGTGTCTATTTCTTACTTATCATACTTCAGATCCCGCTCTTCAGGATCTCATGCAGATCTGGC  
ATGTGTACGACCCCTTTGCATGTAACCTCATCTCAGTTGATTGCAAGTGAAGTCTTTCCTGCACCTGTAGTTAA  
GGCACTTCTCTATCCTGGAGCAGTTGTGAATGGGCTTGTGATGAACCTTGACAGTTCCTAGCTGGAGTGATTTGT  
TCGACATCTATAATTTGACTAACATCAAGGAAGCCTCTGCCGTGACTGATCTTCAACGCTTGAGGTTCTTGCG  
GGAAGCTATTTCTCAGTGGCTGGAGCATTGTTGGTCTTTTGAAGCCTGGGAGGATGAGCATGTTTCGGAACCTC  
TTTTGGTAATTTGGGGTCTTGTTAAGGAAGGAATCCTGGGAAAACCTGTGAACACAGATCCTGTCAAAGCTGT  
TTATGTTTATCCTACAATGATTCTCGCTGTGATCTGTGCTTTCTCATCGGTTAAGTATGATGTGAAGAAGGTTGT  
TAGAGGTGCCCTGCTCGACCAATTGCAAAGCCACTTCAAAGCTCATCAAAATCTAAGCTCAAGTGAGTCCAA  
TTGTAATTTCTTAGCATTATCTATGAGTTTTTCTTTTATTCTCTCCTGAGTACTCCTGACCACTTCCAAACATCAT  
TTTATGCATATCCCAATATTCATTTTGTGGATCTATTAGCTGTGCCGTGAATTCGATCTACAACCTTTCTTCTCAGA  
TAGTTCTTTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2448 NM\_117668|Arabidopsis thaliana RNA binding / protein binding (AT4G15770)  
mRNA, complete cds

AAAGATATTTTACATATAAAGTCATAAACCCCTAAAACCTACAAAATTCTCCGCGCCACCGCTCACTCCTCCTTCT  
CCGATCGACGACGATGAGGCCTTTAGACGAGCAAGAGACTACCGTCGTGTTTCGAAAAGCTTCACAAATTCACA  
GGTAACAACCTCAAGAACATCGTCGAGAATCCCTCTCATGAAGGCACCGAACCAATCCCGGCCGCTACTGCT  
TCCGCCTCCACAAGAACAAGGTTTATTACGTCAGTGA CTCCCTCGTCAAGCGAGCCACCAACGTAGCCCGCTCC  
AACCTCGTCTCTCTCGGCACCTGCATCGGAAAGTTCATCATGGCGGCAGTTTTTCATCTCACTGTTCACTGCTT  
GGGGCTATTGTCCCCCAATGCCAAGCACAAGGTTTGGCTTAAACCAACCTCTGAGATGTCCTTCTGTATGGAA  
ACCATGTTTTAAAGGCGGCTTAGGACGGATTACTGAAAATATTGTTCCCGGTGATGGGGTCGTCGTGTATTTC  
TATGTCGGATGTGCCTTTGGGATTGGAATTGCGGCAAGTCCACGCAGGATTGTAGGAAATTGGACCCAAAT  
GGGATTGTGGTTCTACACCAATCGGATATTGGAGAGTATTTGAGGATGGAGGATGAGCTTTAAAGGATCAAG  
GATGAAGCTGAATTGAGTTTATTGGGAATCGGCTTCCCGTTCAGGTATACTCCAGTTGTTCTGTAAAGTTTG  
TTGATCAATAGGATTTTGAGCTCAAATTGATATTCTATTTTAGGCATCAAGTCAATTTTGTATCTTTTGAAAACA  
AGGGTGTGAGATTTGTCTCTTAATTGAGGTGTTTAAGTTATGTGAACGATGAACTATGGCTCTAATCCGAG  
CTATCTAATATCATAGAGATAAAGATTTTGCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2449 NM\_001051728|Oryza sativa Japonica Group Os01g0916300 (Os01g0916300)  
mRNA, complete cds

ACTCCAGTTTGTTTGTTTGGGCAGAAAGGACGGCGGCGGCGGCAGAGGATAGGAGAGCGGACAGGACGGC  
GAATTCGGTTTGTCGGTCGGTTTATCGGGTCGTTTCGACCACCTTTCAGAAATAAAACCAGGTATTTCCCAATTC  
GAAGCGTCGTTTCTCATCGCCGTTCCGCCATATTCAAATTCTCTCGAATTCGACTAGCAGTCGATCAATTAC  
AGGAAAGCTTTCGAAATTGAAAGTTCCGGCGATGCCGACTTCTACTACAGCAATTGCAGGTTTCAGGAGATTGCG  
TCCAATACCATAATTGGTTCTAGTGCCGAAGATAAATCCCTCAAGGAATCAGCTGCTGCTCAAAATGAAGTGC  
AAGAACTTGAAAAGTTTAGCAAACAAATTTATCCTTGCCAACCGGGAGAAGCTCAGTGTTCTGTGGCAATATC  
TGCTGATCAAGAGACCAATCGAAGTTTGGGAACGATCAGAACATTGTTCCCATGACGGTGTGTTTAAACAAC  
ATTGCTGTCTCAACTTCTAGCAACTTCAGGTCGAATGTTGACGATGGCAGAGACATTGAGATTGCTGTTTCAGG  
ATGCCGTGTTGAGGGAACAGGAACTCGCTACCCAAAATATTATTCGTAGCCAAAGGGAATCTGTGGGTGCAG  
ATGGACTTCCGGCTGAGCAATCAGATATCTTTTCAGAACGTTATGACCCGAGTACTATTAAAGAGCATCTTTTG  
AAGATTACTTCTGAACATCGTCGAGAAATGGCTATGAAAAGGGGAAAGTTGAATCTTCAGAAGAAGGGAAC  
TTGGAAATTGAAATGGATACGGAGTACCTGGTGGATGTGCTTCTATGGTGCTTCAAAGCCTGGAATTGTTG  
CCAATGGAAATAATGTGACTGGGCCAGAAATCCAGGGGACAGTCAAGGAAGCCGACCAAAGTTCTGCT

>trans\_c\_2450 AY109937|Zea mays CL24596\_1 mRNA sequence

AAAGTGAATGAATGGCTGTGGTGATTACACACACACCTTCCCTCAATCTTCTTACAAACCACACCATTCTCCCT  
TTTTCATCATCTTCTTCTTCAATTCTCCCCTGTTTTCAATTCTCAACAAAATCAATGGCGTCTCTTCAATCTCTGGC  
CTCCACTACTTCCCCTTCTTCTCCTCATCTCCTTCATCCTTCTTCCACAAACTTAGACTCTTATTCTCTCCACA  
GCAGCGCCTTCTCCTCATTCCACGGCCGCTCTCTTCCCTCTCCACTACCAAATGCCACACACTCACTCGCCGCA  
CTTACCGACAACGTCCATGGAACCCCATCCTCATGGTTTCAGCCCAAGATTCAAGTTTCATCCAGGGCACGGACGA  
GCAGACAGTGCCGGATGTGCGGCTCACGAAGTCCCGAGACGGAACCAACGGAATGGCGATTTTCAGGTTTCGA  
TCAGCCGTCAGTGTTTCGATTCATCGGCGGAGGTTGGGGATATCACCGGATTCTACATGATTGATGAAGAAGG  
GGTGATTCAATCGTTGATGTGAATGCGAAGTTCATCAATGGGAAACCGGCGGGGATTGAGGCGAAGTATGT  
GATGAGAACCCCGAGGGAATGGGATAGATTGATGAGATTGATGAGCGATACTCCAATGCCAATGGCTTGCA  
ATTTGTCAAGAAATGAAATCAGGTTCTTTTTTTCTTCTTTCCTTTCCTTTCCTTTCCTTTCCTTTCCTTTCCTT  
AATACTGTGTTTGATTTATGGCTGATGGATGAAGATTTAATTGATGCTTTGTTCTATGTTCTTCTATCCTCTCTC

AACTAATTCTGTACGCTGGTAGGGCAATTTGTAATAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGGGAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2451 NM\_104990|Arabidopsis thaliana ATRBL2 (Arabidopsis thaliana Rhomboid-like 2);  
serine-type endopeptidase (ATRBL2) mRNA, complete cds

CCACCGACTGCTACATATATAGAGAACTGCGAACCAAAATCAAAATCCCAATCAATTCTTCAAAATAAAAAA  
ACCCATTAGAAGTTTCTTCAAGAAAAAACCCTTCAATTCTCTTCCATCATTGAGAAACCAAGCTTGAAGCT  
TCAATAGAGAAACAGAGTGGAACATATGTCGAATCAAGATCTCGAGCGAGGAGCAGCTAAGAATCCACCCAAT  
ACTAACCCAAATGCTAACTATTCATCTTCTTCTTACTACATAGAACTTCTGAGAAGCAATGGACGCCTTGGTT  
GGTTCCTATGTTTGTGTGGCTAATATTGCTATGTTGATGTGTTGACGTGCATGTCAATAATTGCCCTAATTCTA  
ATCTGGGTTTTGGAGATAAGTGTGTGGCTGGGTTTCTTGGACGTTTTTCGTTTCAGCCTATCAGGGAGAACCC  
CCTCTTGGGGCCTTCTTCCAATACATTGGTGAAATTGGGACCTCTGAAGTGGAATAAGGTTGTTACGAGCAT  
CAAGGATGGAGACTTTTCTTGTATCTGGTTGCACGCTGGAATCATTATCTTCTTGTCTAATATGTTGAGTTTG  
GTTGTGATTGGAATCCGCCTCGAGCAACAATTGGATTGTGCGTATCGGGATAATATACCTTGTGGCTGGAG  
TTGGTGGGAGTGTGATGTCTTCTTCTTTCATCCAAAACAATATTCTGTTGGTGCTTCTGGTGCCCTCTTTGGAC  
TTCTTGGAGCTATGCTATCCGAGCTTTTGACAACTGGACGATTACACCAAAAAGGCTGCTGCACTCTTCACC  
CTCATAGTCATCATTGTTATTAACCTAGCAGTTGGAATTCTACCTCACGTTGACAACTTCGCCACATTGGAGG  
ATTCTTAACAGGGTTCCTTCTCGGGTTTGTATTGCTTGTCCGTCCACAGTTCAAC

>trans\_c\_2452 NM\_001052656|Oryza sativa Japonica Group Os02g0186500 (Os02g0186500)  
mRNA, complete cds

CTCTCTCTCTCTCAAACAAAGCCCAACATTGTCCTCACTTCTCTCTCTCTCTCTCTGTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTGAACTTTTTACACACCCAAAATCAAACTCCATCAACCAAAACCAACCCATTCCCTTTTTCTTTTTTTTTG  
CAAATGTTTGTTTCTTCTCTGTCCCTTTACGCTTCGCATCTCTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGT  
AACATATATTAACCTCTGTAAGCTAATTAAGCAACACCTACCTTTGTCTTTCATACTCACTAATTCCTCTGATT  
GCCTCTGTTTTCATGGCCTTTGCCCCCTTCTCTGCTGTGGAATTGGTTTGGATCGGAAAGAAAGAGGGAAGA  
AACAGCAAACATGGAGGGTCTTTTCATTGAAAGAATTACACTCGGCTACAAATAATTTAATTATGATAACAA  
GCTTGGAGAAGGAGGATTGGTAGCGTTTACTGGGGACAGCTGTGGGATGGATCACAACCTGCAGTTAAGA  
GGTTGAAGGGCTGGAGCAACAAAGCAAACATGGAATTCTCTGTGGAAGTTGAGATACTGGCCCCGAGTTAGGC  
ACAAGAATCTATTAAGTTTACGTGGATACTGTGCTGAAGGGCAAGAGCGCTTGATCGTGTATGACTACATGCC  
CAATCTAAGTCTACTCTCCATCTACATGGACATCACTCATCGGAATGTCACCTTGATTGGAAACGTCGCATGA  
AAATCGCCATTGGGTCTGCCGAGGGAATTGCCTATCTTACCATCAAGCAACCCACATATCATTATCGAGAC  
ATCAAAGCTAGCAATGTTTTGCTGGATCCTGATTCCAAGCTCGTGTAGCTGACTTCGGATTTGGCAAACCTCAT  
CCCCGATGGTGCAACACATGTAACATAAGAGTCAAGGGCACACTCGG

>trans\_c\_2453 XM\_002869965|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cyclic phosphodiesterase, mRNA

GCACTCACCATTACATGTCGGACAAAGTACCTTCCGTCTTACTTTCTTCTCAATTTTACTCTGATCAATTAAC  
CGTAACTACATTCTCCGCCAACACAATCCTCATCAAAATCCGATTTCTGAACCGTTTTATTTCAAATTTCTTCC  
ATTCTCAGCTCCGATGGTGAACCCAGAATCGGCATCTATCCAATCCTCTGAAGAGGAAACCAACGTGTATTCT  
GTGTGGGCTCTTCTCCGGAAGATGTGTCCGCCAGAATTGAGAACCTCATGAACAGCCTCAGATCCGAGTTCCG  
GCGGGCCCCAATTCGAGCCACATATCACCGTTGTTGGAGCAATCCGTCTCACCGCTGAAGACGCCCTTAACAA  
ATTCTCACGGCTTGTCTAGGGGATTAAGGCTTATCAAGCCACCGTCGATCATGTATCCACCGGAACCTTCTTCT  
ACCAGTGTGTTTTCTCTTATTCATCCTACCACTGAGGTGGTGGAGACCAGTTCACATTTTGTAAACATTTTG  
GTTTCAAAAACCTCTACCCCTTACATGCCGCATATGAGCCTACTGTATGCCACATATCAGATGAAAAAAGAAG

CAGGCAAAGGAAATAGCAGACAAGCTCGATGAAGCCGTGAACGGCCTAAAATTTCCCATTACTCGACTTGCAC  
TGTGGAAAACAGACACTTCGGATGAACTCTGAAGTCCTGGGAGAAAAATTGTAGAACACGATCTTTCTTCAAG  
TTAGCTTCAGTTTTTTATCCCCTGAAGATCTAACTATGTTAGTTTACCATGTTTGTTTCAACAATGTCAGAAG  
ATCTAGACTCTGTTCTGTTACACAGTTTACGGTATTTTTGTTTCAACAATGTCTGTACTCCTCTAGACTTCTTAAT  
TGGAAAAAAAATAAATAAATGTCAGCCGAAGGCCTGTTTGGCAGCTTATC

>trans\_c\_2454 NM\_122045|Arabidopsis thaliana PHT4;5; inorganic phosphate transmembrane  
transporter (PHT4;5) mRNA, complete cds

ACGTCTTTCCTCCTCCTTCTTCTTCCCGCTAAAACAACAAAAGAGAAACCCACTTCACCCCCTACTTTTCTCC  
CCAAAGCTCAAAACCCCTATGGCGAATTTCTCAATTCGACCCCATAGTCCCTTCTCTCACCCCACTAAC  
CACCCAATTTTCCACTCAGTTTCATCCACTCGCTTCATTTCTCACCACCGTGTCTTCGATTGAGCCTCCGCGTTT  
GCTGTAGCATCAAGGAGAAAGAAAATGTCAAGAGGAATGAAGATATTTCCCCTGTTCTTCTGGCTTGCGAGT  
TGATGCATCGGAGCGAAGTGGGTCTGTTTCAAAATCTGAAAACGATTTGAGTTCTGGACATGAGAATGATGA  
AGCGGGGTCTGATTTGAATTGGCCGCGTGGAGGAATGTTCTGATAGATATAAATTGATTGGTACTACGGCA  
CTTGCCCTTCGTTATTTGTAACATGGATAAGGTGAATTTAAGCGTTGCTATAATTCCAATGTCGCATCAGTTTGG  
GTGGAATCTTCTGTGGCTGGATTGGTTCAGTCGTCTTCTTTGGGGTTATGCTTGAGCCAGTTGCCTGGTG  
GGTGGCTTGCCAAGATATTTGGTGGGAGAAAAGTTTTGGAGATCGGAGTACTGACTTGGTCGCTAGCTACTG  
CGCTCGTTCATTTCTTGCTGGATATATGCCTGGATTAATATTTTCCAGAATTTTGGTTGGCATCGGAGAAAGG  
GTTTCACCATCAGCTGCAACTGACCTATTGCCAGGACAATTCCTCTACAGGAACGCTCACGAGCAGTTGCATT  
TGTTTTTGGTGGTCTGAGCGTAGGAAGTGTTCGGGACTTCTTTGTCTCCTTCTCTCATCAAAATTTTGGTTG  
GGAAATCTGTGTCTACATTTTGGCTTCTGGGGGATAGCTGGATTTCAGTTTC

>trans\_c\_2455 AB359918|Solanum lycopersicum LeGABA-TP3 mRNA for gamma aminobutyrate  
transaminase isoform3, complete cds

ATTGCAGATGAGGTTATTTGTGGTTTTGGAAGGCTCGGGACGATGGTTGGATGTGATAAATACAATATTAAGC  
CAGACTTGGTATCAATAGCTAAGGCTCTTCTCTCGATATATTCTATTGGTGGTGTCTTGTGAGTCTCTGAAG  
TTTCAGATGTTATACACTCTCAAAGCAATAAGCTTGGTAATTTTGGCCACGGATTTACATATTCTGGACATCCCG  
TTGCGTGTGCTGTGGCACTTGAAACACTGAAGATATACAAAGAGAGAAATATTCTTCAGGTAGTAAATAACCT  
CGCTCCAAGGTTTCAAGATGGTATAAAAGCCTACCAAAACAGTCCCATCATTGGAGAGATAAGGGGGGATCGG  
ATTGATTTCAAGCACAGAATTCACAGACAATAAATCACCCAACACTCCGTTTCTACTGAATGGGGGGTAGCT  
GCATATTTTGGTGAAAGGTGTGAGAAATATGGAATGCTAGTACGTGTCTCTGGGGATACTATAACGATGAGTC  
CTCCCTTCTGTATCAAACCTGAAGAAATTGATGAGATTATAAGAATCTATGGGAAAGCATTGAAGGATACTGA  
ACAAAGGGTGAAGGAACTCAAATCTCAACAGAAGTAGCCAACCCGACCAGATCAAAGCAGATTATGTCGAAA  
AGTTTGTTTAAAGAACATGAACATCAAGGTGAATGTGTGAAGTGAGAGTTCTATTTTAGTGTGTTGCTCCAATT  
GTTTCTGAATAAGTAAGAATAAACAGAAAAGTCAAATTGGAGCTTGTGTATTATCTCAATTTTAATTGCCCCGT  
TCTTCTTTATCAAGATTTCAAGTTTCACTAAACAAATATATAAGCATGAGATTCTTATTCATCCTACTATGAGA  
TGAATCAATTATAATGAATTGCCATTTTAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2456 NM\_001052878|Oryza sativa Japonica Group Os02g0226000 (Os02g0226000)  
mRNA, complete cds

AAGGGCGTTCCGTCTTGTCTGCCGGCGTCCGATCATCAGCCCCAAAAGCCCTTCAACGATCAAAGTCAAACA  
TCCCCTTTTTCTATTTTTATTCCGTTAATTCTTATGCTTATTCCTCTAACCCCTCATCTCCAATTTCAACTCTTCCC  
CTTTATTGTTTCGATCTGTGAAGACCACATCTCAAGTTTCTTCCCTCTTCACAAATCTCCATTAAAAAAAAAACA  
ATAATAATGTCTTCTATAGTCACTGAAGCTTGGCAAGGATATCTCCTGCAACTTCAGAAGAATCCTCTTAGAAC

TAAGGCAATTACTGCTGGGGTTTTAGCTGGGATTAGTGACTCTGTGGCTCAGAAGATTTCTGGGATCAAGAAA  
CTTCAGTTCAGACGATTGCTTCTTTTGATGCTCTATGGCTTTGCTTATGCTGGACCGTTTGGGCATTTTTGCAC  
AAATTGATGGATAGAATTTCAAGGGAAAAAAGGAAATACAACCTGTTGCAAAGAAGGTGTTATTGGAACAA  
TTGACTAGCTCTCCTTGAATAATTTGTTTTTCATGATGTATTATGGATTGGTAGTTGAAGGAAGACGATGGAG  
TTTAGTCAAGGCCAAAGTTCGGAAGGACTACCAACTATTAGTTGACTGCTTGGCGGTTCTGGCCTATAGTT  
GGTTGGGTGAATTACCAATACATGCCTCTCCAATTCGAGTGATATTCACAGCTTTGTTGCTTCATGCTGGGG  
AATCTTTCTGAATCTGAAAGCAAGATCAGTGAAGGCAGCATAAATTGGTTTAAGTTGAAGCCTTTTCTTTACTT  
TGGTAACTGTAGAATAGAATCCATTAGCTTTTGGTTTAATTCAAGCTGTAAGTCTCATCTTCTGTTTTGACTGT  
CACACAAATGAATAATAGTACGAGAGTAGGTGCAGAATAAACTAAATTAATC

>trans\_c\_2457 GU014485|Nicotiana sylvestris S-adenosyl-L-methionine:salicylic acid carboxyl  
methyltransferase (SAMT) mRNA, complete cds

ATATATCAACAATTAAATCTCTTCCCAAACAAAACAAAAAATCAAATTCACAACAGAAAAGAAAGAAAGAA  
AGACGAATTATAATGGAAGTAGCTCAAGTTCTTCACATGAATGGAGGAGCTGGAGATTTTAGCTATGCTAACA  
ATTCCCTTCTTCAGTCGAAGGTGATATTGATGACGAAGCCGATTGTGGAGGAAGCGATAAACAACTTATATTG  
CTCCAATTTCCCAACAAATTTACCATAGCCGATTTGGGATGTTCTTCAGGACCAACACTTTAATGGCAGTTTC  
TGAAGTGAATAAAGTAGTGGAATAAATCGACAAAACACAACAAAGAACCAATTGAATATCAAGTATTGTTA  
AATGACTTACCTGGAAATGACTTCAATACAATCTTCAAATCATTGCCTAATTTCTTGAAAAATTTGAAAATGGA  
AATTGGAGATCGTGATGTTGGGCCTTGCTCTTTAATGGGGTGCCTGGTTCTTTCTATGGAAGACTATTTTCTT  
CAAAAAGTGTGAATTTTATTCATTCTTCATATAGTCTTCATTGGTTGTCTAAAGTTCCAGAAGGGTTAGAGGAA  
AATAAGAGAAATATTTATATGGTAAATACAAGCCCAAAGAGCGTGGTGGAGGCTTACTATAACAATTTCAAG  
AGGATTTTGAATTGTTTTGAAATGTAGGAGAGAAGAATTAGTGAAGGGAGGAAGTATGGTTTTAACACTTTT  
GGGAAGAAGAAGCCAAGATCCAACCTAGTAAAGAGTGTTGTTACATTTGGGAGCTTTTGGCTATGGCTCTTAAT  
GATATGGTCTCAGAGGGAATTATAGAAGAGGAGAAATTAGAAAGTTTCAACATACCAAGTACATGCCATCA  
CCAACAGAAATGAGAATTGAGATCGAAAAAGAAGGATCTTTTGTGGTTAATCGCATTNCAGT

>trans\_c\_2458 AJ620909|Antirrhinum majus mRNA for SEU3A protein

AAGCTTATGCGGTGTTGGACCTGTCAAGTTAGAACCTCAAATGAATAACAATGATCTCCAAGGACAGCAACTA  
CAGCAGCAGCAGCAGTTGCAGTCAATGAGGAATCTTGGTCCTGTGAAACTGGAACCACAACAACCTCAGTCA  
ATGAGAAACATGGGTCCCTTAAAATTGGAACCTCAACAGTCTGATCCGTCATTGTTTCTACAGCAGCAACATCA  
ACATCAACAGCAACAGCAACAACAGCAGTTACTCAGTATGTCTAGGCAGTCCTCTCAGGCTGCTGCTGCACAG  
ATTAATATTTTGCAACAACAAGACTCTTGCAATTTCAACACCAACAGCAACTCCTGAAGGCTATACCTCAGCA  
AAGACCACATTTGCCTCAACAATTTCAACAACAAAATTTACCATTGAGATCCCCTGTAAAGTCTGTTTCCGAAC  
CTGGCATGTGTGCTCGGCGCTTAACAAATTATATGTGCCAACAGCAGCAAAGGCCTGAAGACAACAATATCGA  
GTTCTGGAGGAAATTTGTTGCAGATTACTTTGCTCCCCATGCCAAAAGAAATGGTGCGTTTCAATGTATGGA  
AATGGTCGCCAAACAACCTGGTGTATTTCCACAGGATGTCTGGCATTTTGAAATATGCAACCGCAAGCCTGGTC  
GAGGTTTTGAAGCAACTCTTGAAGTTCTTCAAGGCTGTTCAAATCAAGTATGAGAGTGGAACGCTCGAAGA  
GCTTCTCTATGTTGATATGCCCCGCGAATATCATAATTCATCCGGACAAATTGTCCTAGATTATGCAAAAGCAA  
TACGAGAAAGCGTTTTTGAAGCACTTCGTGTTTTTCGTGATGGCCAACTTCGGATAGTTTTCTCTCCCGACTTA  
AGATATGTTCTTGGGAATTTGTGCTCGACGCCATGAAAGAGCTTATTCCTCGAAGGTTGC

>trans\_c\_2459 NM\_147322|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT2G16405) mRNA, complete cds

TGTATACGTTTTTCATCCGGTAAATAATAACTTCCTATCAGTTGGCAATGCAAATAAGGAAATCACGGTGTATAA  
TTTCAGCACGGGGAGGATTGTGACAAAATTAGTTCTTGATAGTGAGGTTACCTCCATGGATCATGATCACACT  
GGTCAGCTCCTTTTCTGTGGGGACGCAAATGGGTATGTTTACTCTGTGAGCACGAACTCTCATACAGGAGCAT  
TAACCCGTACTIONCACCGCCAGTGGTGTAGTAGTCGGCGAAAATCTCCTGTATCCACAGTGCAATACCGAAGCTT  
CTCTCTGCTGGCCAGGAGCCCTGTATTGCTAACTTGCACTCAAGATGGGAACCTTGCTTTCTTCAGTATTGCTTT  
GGAAGTTCAAGGATATTTGACCCTCCGCTGCTCACTCAAATTAGCTCCAAGGATACATAGCATCCGTGCTTCAT  
TCTGCCCCCTACTTTGCTTGAAAAAGGAGAGTACATTGTTGCAGGAAGTGAGGATTCAAATGTCTACTTCTAT  
GATTTAACACGACCTAAACATACTTGTGTCAACAAGCTACAGGGCCACCGGTTTCCAGTTATCGGGGTTGCCT  
GGAACCATGGGGAGAATCTGTTGGCTTCGTCAGATTTTTATGGGACGGTAATTGTATGGAAGAGATCAAAGA  
CGAGTTAGAATGATAAATGCGTGAATAATTTCTAAATGGCTCTGTTGTACATCATTCTTCCCTTTTGTGCTCCA  
TAATTTTGCCACTCTTTTATCAACTACAGATTATCGCCATATCTCAGCGAAAGTGTTTTATTCTTTTTAGCCCAA  
TTGTTTCTAGAAAAAAGGAGAGTGATCATATTATGACTATACCTCTGTAATTAAAGTGTAACAAAATGTCATCT  
AGTTGAAGTTTTGGAGTGACTGATGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2460 NM\_001188281 | *Oryza sativa* Japonica Group Os07g0496250 (Os07g0496250)  
mRNA, complete cds

ATCTCCACGTCTTCTTCTTCATCTTTCTTCAATAACATCCTAAAAGCTTGTGTGTGCTGCTTTTTTATCATGGCTC  
TCTCTTCTTCTCTTCTGTTTTTGTGTTTGAATAACTTTGCTTCTCATGCTAAGGCTTTCAGAGAGTGCCACATG  
TAATGATTGTTTCACACGCTCTCGAGCCTCTCATTACCCTAACTCGGAGGAGCAAGGAACAGATCATGGAGCA  
TGTGGGTATGGAACCTTTGGAGCAACGATTAACGATGGAGATGTTGCAACTGCCTCTGATCTCTACAGAAATG  
GCCTTGTTGTGGAGCTTGTACCAGATAAGGTGCATAGACAGTGAATTGTGCTCAGAGAAAGGAACAATGG  
TGGTGATAACAGATCAAGGCTCAGGTCCTGGCGATTTTATTATGAGCCGAAGAGCCTATGCTGGGTTGGCTCA  
AACCCCTTATGCTGCTGTCTCTTGTATGGCCCTCGGTGTCATTGACATTGAATACAAACGAGTGGCTTGCAATT  
ACCCAAACAAAAACATAACAATAAAGATTGATGAGAATAGCGATGCTCCTCATTACTTGGCCTTTGTCATAAG  
GTTTCAACAAGGAAAAAATGACATCACAGCAGTTCAACTTTGTGAGACGAAAACTTCGTGTGCAAGTTATTA  
GATCGAAGCTACGGTACTGTATGGACGACAACATCGCCACCGAGGGACCGTTGTCATTGAGAATGTTGCTG  
ACAAATGAGGAGGGAGACGAGCAGTGGATTGTCCCATTAATGATATTCCTCGTGATTGAAAGGCTGGAGAT  
ATCTACGACACTGGAGTTCAAGTTAATTAAATTCATCATTCCATATTATTTATAGAAATTTTCTTCATGTTTT  
TATTTTAAAATTTTCTTAAAGTTATTTTATCGGAAATAAATGTCTCACTAAATGAA

>trans\_c\_2461 NM\_124158 | *Arabidopsis thaliana* AMK2 (Adenosine monophosphate kinase); ATP  
binding / adenylate kinase/ nucleobase, nucleoside, nucleotide kinase/ nucleotide k> (AMK2) mRNA,  
complete cds

ATAAATGAACCGAAGAATTAAGCTTCCAAATCCAACTATAGAAACCAATCGTAAGCATTGAGCTTGTGGACG  
AAAACGAGTCGAGGGCTAGTGGCTGTCGTCTCGCTTCGCTAATAGCCTCGAGATCGACTGGAAATTACTGCCG  
CCGCTGCTCTGAGTGCCGGACTTCCGACGAACGGTGGCAGAGGTATCGAAACCATGGCGCTCCATTCCAGTT  
TCACAACGGTTGCATACGCGAATCCAGTTTCTCATCTAGGCAACGGCAACCAATTCATTTCCCTTACGTTTCCA  
ACAATTCAATCTCGTGGACTCGTCACTGTGAGCCCTAAGTCTCCCGTGTTCCGACGTTTCTCCGTCACTGAAG  
GCTACGTTCTCTCCCACTGTAACGGCGCATGCAACACCAGAGCCTCTTAGAATCATGATATCTGGTGCTCCTGC  
TTCCGGTAAAGGCACACAATGTGAACCTTATTACTCAGAAATATGGTTTGGTGCACATCGCTGCTGGAGATTTA  
CTTAGGGCAGAAGTCAATAGTGGCAGCAAAAATGGGAAGCTGGCGAAAGAGTACATGGAGAAAGGACAATT  
AGTCCCTAATGATATAGTCGTGCTAATGGTAAAGGAACGGCTGTTGCAACCTGATTCTCAAGAGAATGGTTGG  
CTCTTGATGGTTATCCTAGGAGTTATTCTCAAGCAATTGCTCTTAAGGAACCTGGCTTTGAGCCTGATCTTTTC  
ATTCTTCTGAAGTCTCTGAAGAAATTCTTGTGAGAGAGTTGTTGGAAGAAGATTAGATCCCATTAAGTTAA

GATATATCACTTAAAGTATTCTCCTCCTGACACTGAAGAGGTTGCTGCTAGACTCACGCAGCGGTTTGATGACA  
CTGAAGAAAAGGTGAGGTAAAGATTGCAACTCATCACCAGAATGTGGAGGATGTTCTT

>trans\_c\_2462 NM\_001050854|Oryza sativa Japonica Group Os01g0760900 (Os01g0760900)  
mRNA, complete cds

AGTGGCAAAAGGCACTTTCACTTCCTCTTGTTTACGAAAGACCGGAGAGCTTTTGCAACCATTGATCTTTTCA  
TATCTGTTCAAGCATGGTAAGGAGAATGTTAAGCTCTATTTCTTCAGGTGGTTTGAATGCAGAAGCCGAGGCC  
GAGGAAGCTACTCGCTTCCAGAATGCCCTCCTGGAATAAAAGGCTTGC GTTCCCAGCTTCATCAAGCGGCAG  
ACTACTGTGAAACAACGTTCTTGAAAATAAAGAGAAGAATGAAGTGGTGGAACACCAAAGAGTACGTAT  
GCAGGGCCATGGTAAGTGTGGTTGATCATCTTGAAAATGTCACTTCCAATTTAGAGAGCTGTATTTCTCAAAC  
AATGCCTTCAACGAGGTGAGCTTCGATTAACTGCTTAAACCAAAGACTCCTCTCCTGTGCACAGTATGCTCA  
AAAGCTTGAAGTATCCCGACTACGTTGGAGTGAAATCCTGCCAGGTATCATCCCCGCTATGTCTCTCCCGTTG  
GCAAAAATATGGAGCAATTAAGTGAAGTTCGAGTATCAACCAAGTGGAGGGACACGAAAGACCTTCCGTTTG  
CAAACACTGTTAATAACTGCAAGCCAGACATTTTACAGAGAAGTCAATGCCAGTTCTGTTGTACAAATTCTAC  
TCTTACAATCTATCTCCTTACAAAACTTGAGTCGTAGATTCACTTCAAAGAAAGATGACAAGGAAAAAACATT  
AGGTATACTTCAAAAAAGCAATATCATCAGCTGGTGACCATGGGTTTTATTCCGAACAAAAGGTCCAAATTCT  
ACATTTTATTTTCAAGTTTCTAATCAGAAGCGTGGAAGCCATAGAAAATCAAACCTTGGAAAGTGATATATTTTC  
CCTTTCTAAAGCGACTAAACAAGTAGCTTAACAAACATAAGCTGTGAGAGTGGTTTATT

>trans\_c\_2463 XM\_002891865|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thylakoid lumen 18.3 kDa protein,  
mRNA

ATTCCATGTCTCACAATATCTGAATCTCTTCTTCATCTTCTATGGAAACCATTCTCTCTCCTCACTCTCTCTCC  
TCTTCTCAATCCTAAACCTTCTCTTCCAAGAATCTTCCCTCTATTCCACCCAACCCAGATCAAATCTTGTTCTT  
TATCAAAACCCATTTCACTTTCTCTCAAAACACCTTCTCCTCCCAAGTCTCTCCGATCATCTCTCCAGTTCCTTC  
GACTTGTTTCTCCCATCTCCAACATGGGTTGGCGGCTGTAGCGATTTCTTTGGCGCTTAACTTTTCCCGTTGTT  
GGCTGGGCATAATGCTCTAGCGTCTGAATTTGATGTTCTCAATGATGGGCCGCCGAAGGAAACACATGTGGT  
GGACGATGCTGGAGTTCTTAGTCGGTTACGAAGTCAGATTTGAAGAGTTGTTGACGGATTGGAGACGAG  
GAAGAATTTTCATATTGATTTTGTCACTGTTAGAAAGCTCACTAGCAAAGCTGATGCATTTGAGTATGCTGATC  
AAGTTTTGGAGCGTTGGTATCCACAGTGGAAGATGGAACAACAAAGGCATAGTTGTTCTTGTCAACAGTCA  
GAAAGAAGGAGCCATTACTGGTGGCCCTGCCTTTATCCAAGCTGTTGGAGAAAATATTCTTGATGCCACAGTA  
ACAGAGAATCTCCAGTCTTAGCTACTGATGAAAAATATAACGAAGCCATATACAGCAGTGCAAAGCGGTTAG  
TGGCTGCCATTGATGGCCTTCCAGATCCAGGTGGTCCTTCATTTAAAGACAATAAGCGTGAATCGAACTTCAA  
AACAAGGGAAGAAACCGAGGAGAAACGAAGACAGTTTAGTCTTGCTGTTGGAAGTTTGTAGTCATAGCCTT  
TGGTTGTTCTATGGCTCAATACTATGCTTATGTATCCAAGAAGTAACCAAAAA

>trans\_c\_2464 NM\_119078|Arabidopsis thaliana DER1 (DERLIN-1) (DER1) mRNA, complete cds

ACTTCGGATTCAGAACATTCTGGGTCGTAGAGAACTCTTCCATTGTTTCATCTTCTAATTTCTTGTTTGTTAAGTC  
TTGTTCTTCTTCTGGCGGTGAAATTTCTTATACAAGAACTGAAAGATCTTCATTTCCCATAGCTTATCTGAATTT  
CATTTCTGTTTCTACAATGTCTTCTCCTGCCGAATTTACAACCTCTTCCACCTATTAGTAAGGCGTATGGAAC  
CTGTGCCTTTTGGCAACTACAGCCTTTCAACTTGGCTTGTACGATCCCATGCTTATTGCGTTGGATTATGGACTT  
GTGTTCAAGCATTTTCAAGGTGTGGAGGTTATTCACAACTTTTTCTTCTAGGAAAATTCTCTATCAATTTTGA  
ATTCGCTTATTAATGATAGCAAGATATGGGGTTCAACTTGAGAATGGACCATTTCAGAGGCGAACAGCAGATT  
TTCTATGGATGATGATATTTGGAGGCTTGACATTATGGTACTTGCTGCTATCCCAATCTCCGGTTTCCAGTCT  
TAGGGATATCACTTGTGTTTATGCTTCTCTATGTCTGGAGTAGAGAATTTCTAATGCACAAATCAATATATAT



GGCCTTGTAACCTCTTAAGGCATTTTATCTGCCATGGGCCATGCTAGCACTGGATGTCATTTTCGGTTCACCCCTT  
GTACCTGATTTACTCGGAATCCTAGCGGGGCATTTGTACTACTTTTTGACCGTGTTCATCCGCTGGCAGGCGG  
AAAGAACATATTGAGAACCCCATTTTGGATACAGAGGTTAGTCTCAAGGTGGAAGATAGGTGCTCCACCAAT  
GCAACGTGCGGCAGTGCCTGATGATAGGGGTACGAGTGGGGCTTTCAGAAGGAGGTCATATCGGCTTAATG  
GCTAAACAGCTATCTGTATAAGAAAACAACATGGTCAATCCTCTTAACACT

>trans\_c\_2465 AY104267|Zea mays PCO085704 mRNA sequence

GACTAGTGGCTCCATGGTTAAGCCCCTCCTCATGTTTGTTTTGTTTCAGACCCTCCAGTCTGGGTCTGCGTCTAG  
TCTACAGCTTAAACGAAAATTCCTATTCTGTCCAATAGTGGGTAATCGACGACATTTCTCCCCATCTCCTTG  
CTCGCAAAAAAGAAACGGCTTGTGAAGATGGCATTACAAGCTGCTGGGGTTTCAACGTCTAAGGTTCTCATCC  
TCGTTGGAGCAGGGTTAACTGGTTCTGTTGTTTTAAGAAGTGGGCGATTGTCTGATCTGATATCGCAACTTCA  
GGAATTACTGAAGGTGTTACTGATGAAGAACTTTCCCTAGCCCTTACAAGTATGATACTGCTGTTCTTGCTG  
CACAGATTCGACAACTGACACAAGAGATCAGGGAGTTGACTTTATCTGGTCCTGTAACCGTCTTTAATGGGAA  
CTCTTCTTCTGCGGAATTATGCTTCTTACTTGGTACCTGCTGCTGCTGTTGGGAGCGATGGGATATTGCTACA  
TGTGGTGGAAAGGGATTGTCATTTTCTGACATAATGTTTGTGACAAAGCAAAACATGGCAAATGCTGTCTCCAC  
CGTCTCTAAACAACTGGATCACGTGCATGAAGCACTGGCTTCAACAAGGAGGCATCTGACAAAGAAGTTGGA  
GAACCTAGATTGGAGGCTGGATGAGGAGATCGAAACAACAAATCTCATTGCTAATAATGTGGAGGAGGTTAA  
GTCTAACCTTTCTCAGATTGGTTTTGATGTTGAAACAATCCATCAAATGGTCTCACAATTGGAAGGGAACTTG  
AGGATCTTGAAAGGAAACAGAATGTCACAAATTCTGGTCTCTGGTATCTATGTCAAGCTGCAGAAGGCGTCAG  
AGGTCGTATAAGCGAAAAACTCTTCCAGAAGTTGAGGCAAAGAAGATTTGCACAGTTAA

>trans\_c\_2466 NM\_116791|Arabidopsis thaliana IBR1 (INDOLE-3-BUTYRIC ACID RESPONSE 1);  
binding / catalytic/ oxidoreductase (IBR1) mRNA, complete cds

CCGGTAAATTAAAGGAAAAACCCATTGCCCATCAAACCAGTTTTGTTGAACGCAGAGAAAATGGATAATGGG  
AAGATTGGGAAACGATTTCAAGGCAAGGTCGCCATTGTCACTGCTTCAACTCAAGGTATCGGCTTCAAATCG  
CTCGCCGTCTCGCCTTTGAAGGTGCCTCCGTCGTTATTTCTTCCCGCCGACAGAAAAATGTCGATGAGGCAGTT  
GAGAACTCAAAGCTGAAGGACTTGAAGTGTTAGGGATTGTTGACATGTATCAAATGCACAACAAAGGAAG  
AATCTGGTGGAAAAGACTATCCAGAAATATGGAAAAATAGACGTAATTGTACCAAATGCAGCTGTCAATCCAT  
CAGTTGATTCCATTTTGAAAACTCAAAAATCTGTACTTGACAAGCTGTGGGACATAAATGTTAAAGCTTCAGTC  
CTCCTTTTGCAGGATGTTGCTCCTCACTTGACAGAGGCTCTTCAGTTGTTCTCATTTCCTCCATTGAACGTTAC  
CAGCCTTCTTCTTTATTGGCCATGTATGGAGTCACAAAAACAGCCCTTCTTGACTGACAAAGGCTCTAGCTGC  
AGAAATGGCCCCTGACTCGTGTAAGTGCCTCGCTCCCGTTTTGTGCCAACACACTTTGCTGATTTCTTG  
TGACTAATAAAGCCGTTAGGAAAGGGGTTGAATCAAAGACTTTACTCAACCGGCTTGGCACGACTGAAGACA  
TGGCTGCTGCCACTGCCTTCCTTGATCAGATGATGCTTCGTATATTACCGGCGAAACTCTGGTTGTAGCTGGG  
GGGATGCCTTCAAGACTGTAGCTCCTTTCCAGTTTATGCTGAAGCTAAGAAAAATTAGCACTGGAGGGTGTTTT  
TGTTTTCTTCTCAGTTAAGAATTCAGAAATAAATATCTATAAGCTTTCTTATGGTATTAT

>trans\_c\_2467 AJ277244|Solanum tuberosum subsp. tuberosum mRNA for alpha-glucosidase (mal2  
gene)

GGGAATTTGAAAGAAAAAGGGGAAGTGTACTGTTGAACAACATCAAAGTGGTGAAGTCCAGAAAAAGAAG  
TAAAAGTCCAAAACCCACCCAATGACTTTGTACGTCAAAGATTTTCTCTGTAAAACACATCCATCCCATTGCT  
ATTACAGCAGCAGCACCGCATGTGCCGATGCCTTCCCTCCTTCATTTCTCAGGTCCATATACACTGGATGAGATC  
CATAAAGATCTGTATTCAGATTAATGGCGGACACATCCGTTGTGTACAAAGTGTAAGGATCGTTGGGTATAT  
TCTAATCCCATGCGGCTGTGTGTTCTCCCTAGTCCGTATAGTGCAGCGTCTTCTGGCAACTTCGTCGAAATCTC

CAGATACTGATCTTTGAACACCAAATTACTATATGGGTCTGAATCAGAAGAGCTCGAATCGAAAAGGATATCG  
CCATTTGATTTCTTTTAACCAAAAACGAAAATGGGTCTGATGTGTAGCTGAAGATTAGGTTACTACCGACGTA  
TTCAGAGCCTGTAATGGTGTGTTTTGGTTGATTTTCCGATGGTCTGTTTCGCCACTGGCGGTTGTTCTCTTGGTAA  
GAGATTGTATGGAACCTCCCATCTTTGCTTCTCCGCGTCGGTAATGTGAACCCTCAAGCGGTCGTTTGTCTCAT  
GCTTAACAAAGAGCTGCAAGTAAGGGATGTCAGGGCCATAAATAGTGTGGGTTGTTAACTTGGAGGCGAG  
CTAAGAGACCGCCATCGGGGGTTTCTCCAACAGAACTAAACGGTAGCCCAGTCCAATTTTGGACGAAACAG  
GGGAAGAAGAAGAAGAAGAAAGAGAAAATTTGGATCTGGAATGGACGCCATTGAAGAAGAGAATGAGAAG  
AAGAGAAAGGGGAAGGAAGCGAGAAGGAAGCATTGGAGCGAGTGAAAGAGAAGAGAGTGAGT

>trans\_c\_2468 EF207449|Liquidambar styraciflua inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TGAGTGGATATATAGGAATCCAAATCTGCCGAATCACTCATGTTATGATCTTCTACATCCTAGGTCTTCCCCTTC  
CTTCATCTGGCTTATGTTCTTCATGTAGCATTGACACCGAATGACTCTATGAAATTACGTCGATACTTCCACATA  
AATGCCCCATTGCATCCTCTCATCTCTATTTTTCCCCTCGGGAATCCTTAGAATTACCACTGCTTAGCTTTCAATTT  
GCCTCTGACCATCAAATGAAATGTGAATAACCCGTCCTCTCTTTGAAACAAGGGACGTTCTGGTTCTGTC  
GGTGCTTGAAACAATTTAGTCTTCTCCATATTACTATATCTCTAGAGTCAATAATTTTATATGAGGAACTACTGA  
ACTCAATCACTTGCTGCCGTTACTCTTCAGTTTTCTGTTGAGGTCTATCCTGTGGAGGTACTCAAATTGGATCAG  
TGATCGATTTCTAGGTTTCGTCGTAAACCTAATTGGTTACTTCCAATTACGTAAATCAATAGTTCAAACCGCACT  
CAAAGGTAGGGCATTTCCTTTTTATAGGAACTTCTGTACCAGAAACAATGGTATCTCCAATTATAGCCCCTC  
TGGGATGTAAATATATCTTTCTCACCATCCCCATAGTGTATGAGACAAATGTATGCATTTGATTAGGGTCG  
TATTCTATGGTTACGATTCTACCATATATGTCTTTTTCATTCCGTCGAAAATCTATTTTACGGTATAGACGCTTAT  
GACCTCCCCCTCTATGCCCTGCGGTAATGATTCTCTGGCATTACGACCTTTACCACAACGATGCTGTCCATAG  
ATCAAATTATTTCTGGATTGGATTTTACTTGACTGTCTACGGCTCCATTGCGTGTGCTCGGGGTAGAAGTTTT  
GTATAAATGTATCGCCATGCTATTAAGTATTTTGATTAAAGTT

>trans\_c\_2469 AL161547|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 47

ATTCATCGGATAGAAGAAGAAGAAGAAAAAGAAGAAAAAACTCCAACGATTCCATAATTCAGAAACCAGACG  
ATCGGTCAATTCCGCGCTCAATTCTTTCTCAAGATCTCCATCTCTCTGTGATTGATCAATTCGATCGTTGCA  
GTGTGGAGATGCGGTTCTTCAGGAAGATTGCAGGAATTCTAGGGTTTTCAAAGACGATTCTCACGATGTCAA  
GAACGAAGATGACGATGTTGATTCCGATACTCATGCTCCTGATCCCGTCCATATGCAGGCCACTGGTCTTCCTC  
GTAGGGGCTTCAGCGTCCCAGTTCAAGTCGCCGTCAATCGCTCCAACCCCGGCCCTATTCTTCTCCTCTAGTT  
CCGGCGATGGTGGAGTTCAGGGTTTGACATGGTATGCAAAGGGTCTTCGAATTGATGAAGATGGAGATGTAG  
CCGAACAGTTCCTGGAGGAGGTAATACCCGAGGTGCAAACCAGTACTACAGACCATCCGAAACCATTTCCACG  
ATTTAGATAAATAATAGAAATAGACCAGCTAAAGTAGAGAACCAGTTATATTGAAGGAAGGCAAACCTTCA  
ACAATGTATTGAACATCAAGGTAGATTGTTATTGGTATGAAGAAGACAAATGAAAAAAAAACCCCGAGAAAT  
GATTCCTTCAGCCATTGGTGTCCAGGTTCAATCTTTTTAGTTTATTTGCCCATGATGGTCAATTTATGAGGATAA  
TCTGTCTCATTTTGATGACAAAAAAGAAGAAAAACATGGCTTAAAGTACAGTTTGCATAAACTTTATTAAGGG  
GTTTAATTTGTACTACTCTGATCATTCTGAAAAAAGGTGTGAAAAGCCCTACAGGTGGAGATAAAGAAGAAT  
ACAGAAATGGGCACTAACACACTAACTTATTTGAATCTGCAACTTTCAGGGTGTTGGTAAA

>trans\_c\_2470 XM\_002301129|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

TCCGAGACCTTCAACCTAACCCCATCTCCGTCCTCCGCCCTTCGTATGATCACTAATATTTCAAGCCTTCAAAC  
CGAGATTGTTCTTCTTCAACTGCCCTGAATGGGCCAATCAACTTCGTGCGGTGCGATTCTTAGCCGCCGCGA  
TAGCAATCACAGTCATCGATCTAAGATCAAATCTACGGCTCTGATTTCCCGATGCATCTGGATGAAACCGATG  
ACGTTTACAGGAAATAATTCATGGAGCCTCCGACTTTATTTCCGATCTTCCGGATGAGTGCTTGGCTTGATTTTCC

AATCCCTTAGTTCCGTCGACCGGAAGGGATGTTCTCTCGTTTGTGCGCGCTGGCTCAAAGTGGAGGGACAGAG  
CCGTCATCGTCTCTCCCTTAAAGCTGAAGCGGATCTTCTCTCTGATACCTTCCCTTTTTACTCGATTCGATGCC  
GTTACCAAACCTTGCTTTGAAATGTGACCGTAGATCTACGAGCATCCGAGACGACGCGCTTATCCTCATCTCCCT  
TCGATGCCCTAATTTGACTCGTCTCAAGCTTCGTGCGTGCCGTGAATTGACCGATGTTGGCATGGCTGCTTTTG  
CCAAAACTGCAAGGGTTTGAAGAACTCTCTTGTGGATCTTGACATTTGGAGCCAAAGGCATGAACGCGGT  
TCTTGATAATTGTTCCGCCCTTGAAGAATTGTCCGTGAAGCGACTTCGTGGTATCACCGATTCAACTGCCGAGC  
CGATTGGGCCTGGCATTGCTGGGTTCATCCCTCAAAAATATTTGCCTAAAAGATCTTTACAATGCACAGTGTTC  
GGACCGCTATTAATCGGTGCGAAAAGTTTGAGAACTTTGAAGCTCTTCGATGCTCAGGAGATTGGGATGCGT  
TGCTCAAAGTTATCGCAGACCGAGTCACCGGTCTTGTTGAAGTCCATCTTG

>trans\_c\_2471 AY135188|Hevea brasiliensis farnesyl diphosphate synthase (FDP) mRNA, complete cds

ATAGGAATACAAAATACCTTTGCACTCTCTTACTTAGTTGTACCAATTTGCAATTTCAACTCGCATATGAGAATT  
TGCATTCTCTACATTTTCCATCTTTGACATTCAATTTTCAAGCTAGATCGATTCTTCATTCTTCTAGGTTTTCTTT  
TCATTTCTCTATCTTGCTCTGTGTGTCTTCTTCATTTCTCCCTCTTCTATGGCGGATCTCAAGTCAACCTTCCTC  
AAGGTCTACTCGGTTCTGAAATCTGAGCTTCTCAGGACCCTGCGTTGAGTTTACGGATGCTTCTCGCCAATG  
GGTCGAACGGATGCTGGACTACAATGTGCCTGGAGGTAAGCTTAACCGAGGGCTCTCTGTTATTGATAGCTAT  
AGATTATTGAAAGAAGGGAAGGAACTGACTGAAGATGAGATCTTCTTGCTAGTGTCTTGGTTGGTGTATTG  
AATGGCTCCAGGCTTATTTCTTGTCTCGATGATATTATGGATAACTCTGTACACGACGTGGTCAACCTTGCT  
GGTTTAGAGTACCCAAGGTTGGGATGATTGCAGTAAACGATGGAGTTCTTCTTAGAAATCATATTCCTAGAAT  
GCTCAAAAATCACTTCAAAGGGAAGCCATATTACGTTGATCTGCTGGATTATTTAATGAGGTTGAGTTTCAAA  
CAGCATCAGGACAAATGATTGATTTGATAACCACCATCGAAGGAGAGAAAGATCTTCAAAAATATGCATTATC  
ACTTCATCGGCGCATTGTACAGTACAAGACAGCCTATTATTCATTTACCTTCCAGTTGCTTGTGCACTGGTTAT  
GGCAGGTGAAGATCTTGAGAAACATACTGCAGTTAAGGACATTCTTGGTCAGATGGGTGTTTATTTTCAAGTT  
CAGGATGATTATTTAGATTGTTTTGGCGATCCTGAAACCATAGGAAAG

>trans\_c\_2472 AF480489|Nicotiana tabacum EDS1 mRNA, complete cds

TGCAGCAAACTTGGAGCAACTGCATGCCATTCTGCTCGATGAATTGGCTAAGCTGCCATTGTCCTTAACAGG  
CAGGAACACGCCAATAACTGAAGCGTTGGATGAAGTTGGCCTGAGTACAAGAGCTTTATTGAATCTTCGGGCA  
GCAGGCGCATACGAAGAGCAGAAAACGAGAAATAAAGAAAGGATGGAATAAAGAAACAATATATCGAGGA  
TCGATTGAATTGGCTAGAAGAAAATTACAGAGCTGTTTGTAAAGGTTGATGGTTTCGGATATTACGATGCATTT  
AAACTCCAGAAGGATCCAAAAGACTTTCAAGCTAATATCAAGAGACTTGAACAAGCAGGTATATGGGATGAG  
ATTGTAGAAATGCTCAAAAGATACGAGCTCCCTGAGGAATTTGAGGGCGATGATGAATGGATAAAACTCGGA  
ACCAGGTTTCGTCGCTTGTGAGCCTCTAGATATTGCTAACTACTATAGACATTCAAAGAATGACGACACTGG  
TCCTTATCTGATAAAAGGAAGGCCGAAACGTTACAGATTTACACAAAGATGGCTTGAGCATAATAAGAAAATG  
TCAGAGCCCAGTGAAGAATCAACTCTTTGGGCAAAGGTTGAGGAGATCCGTATCGAAACCAAACCAAATG  
TACGCTGAATGTTCAAGAGAAATTATAGAGCTGGAGAAGAAGATGAAGCGATGGGTCAACGAGATTGAAGA  
TGATATGCTGTAAAGAAATCTACCTTCATGGAGTGGTGGGAAGACACTTCCTGAGCATCATAGATCACAGTCTT  
GTATTAAGGATGACATCGAGAGGATGGTGAATGACAACGATTCTACTAACATGATGTAGTCCAACATTAATAA  
ACCATTGTACTTGAATAAGACAATCACATTCCAACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2473 AY155669|Solanum tuberosum hin1-like protein mRNA, complete cds

ACTCTCTTCTTCAACAATGGCCTCTCATCTCAACGGAGCTTACTACGGCCCTTCAATTCCTCCTCCTCCTCCAAG  
TCCTACCACCGCCCTGGCCGTGGCGACAGCGGCTGCGGCTGTTGCGGCTGTCTCGGCTGCCTCTGCAACTGCT

GCTGCGGCTGTATCCTCAATCTCATCTGTCAAATCCTCATCACCGTCGTCATCGTCCTCGGCATTGCCGTCTTTC  
TCTTGTGGCTCATCTTCCGTCCAAATCTCCTCCAGTTCCACGCTACCGACGCCTCTCTCACGCAGTTCAATTTCA  
CCTCTCCTAACAATAACAACCTCCATTACAACCTCGCTCTGAATATCACCGTCAGAAATCCGAATCGGAGAATC  
GGGATCTACTACGACGTTATTGAGGTTAGTGCGTTCTATGAAGATCAGCGGTTGAGTACGGTGAATTTGAGCC  
AGTTTTATCAAGGCCATAAGAACACCAGTGTACTCAGTCCGTCGTTGTTGGACAGAATATTGTTCTGCTTGGT  
ACGGATGGAATTTGTCGTATAATTCTGAGAAGAGCTCGGGGATTTTCAGTATCGATGTGAAAATTAACCTTGC  
GGATTAGATTCAAGTTCGGTTTAGTGAAATTTGGACATTATAAACCGAAGATCAGATGTCCATTGAAGGTTCC  
TTTGAGATCTAATAGTACTTCTTCTTCTTCTTCTTCAAATGGTGTGTTGAAACCACCAAGTGCAGCTATGA  
TTTGTAATCGTATTAGTCTTAGATCTGAATTTTTCTATCATCTTCTTCTTGTGTTTTCTTTTCTTTCTGATGTA  
TGTGCTTGTGATTATTGATTCTAGATTCTGACCTGTTCTTAGTGAAATCTTATGGATTCAATTTTTCTTTGATTC  
AATGTTGAAATTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2474 FJ154118|Arabidopsis thaliana At3g13062 mRNA, complete cds

ATCCATCGCGGGAGGCTTGGTACCCGTCGCTACTGCAGACTTCAGTTCGGTGATGTTCTTATGAGTTAGGTTTC  
GGTTACACATGCTTCTGTAATGTCCATTTCCCTCCCTAATTTCTTCTTCTTCTGATTTCTCCGTCATACATACA  
TACTCTATTCAACCCTTTTCTCTGCCACATCCCCCGCCGCACAGGCTAATCTTTTCATTGATTCTATGAAACAT  
GGCTGGTATATTTCAAGGCTACGTCCGAGGATCTTTGGCGTGGGACTATTTATGGTAGTTGGGGCACTGTTTTC  
GTTCTCCTTTTCATTGCAATTTGTCACCTTTTTTATTCCAAGAAAAATGTTTCTTCCCTTCTCTCCCGCTTCCATAC  
CTCCTCTCTTGTGCTGATCGCCACACGTCTCTCCCTCATGTGAATGTCTCCGCCATCCAGAATAATGGAGGC  
TATTTCAAGATACAGATTTGAAGTCTTTATTGGACAATTTGGATGGAAGGATAAATGAGAATGAGAAATGGGA  
ACGTGTTGTAGAAAAAAGTAATGATCATCTTTCATATAGTGCTAAATGCTGCAAGCCTAAGGATGGTCCTTTG  
AAATACTCGAGCGTGACAAATATTTGAAAATTGCTGTCCAAAATTGTTGAAAAGACTTCTACATGGACAATGA  
CTATAGAAAAACAGTGGGGACAGTACCATGCTTATGCATGAACAGCTACAAATGGATGGGACTAGTGGAATTG  
AAGTCGGCCCCACCTTAAAAAAATTTCCATTATTGACGCCGAGGGAGTATATACTATCATGGAGATTATGGGA  
AGGGAAAGATGAAACCTTTTACTGTTTTACCAAGGAGTGTGAACATCCTTCAGCCCCACAACAGAAGAAGTAC  
GTGCGAGTGACATTTTTCAGATCTGGTTGGCGAATCANGAGAGTATCCGGC

>trans\_c\_2475 NM\_119836|Arabidopsis thaliana HVA22K (HVA22-LIKE PROTEIN K) (HVA22K)  
mRNA, complete cds

ATTTTTCTTTTGAGAGGAATTTCCCCATTTCTATATTAACGAACTGCGAGATGCCTATCATTTATTGACGTTTTG  
CTACTGATCGGCATCCATTAAATTTTTGACTTGAACCCCAACTTCTTTTCTTTGGATTTTGAATCGTACTTTGTT  
TTTATGAATTTCTCGTTTCTTTTGATGAACATTTGAGCAGCGATTTGGTTCCAATCGATTAATGGCTCTTCTCG  
GCTCCGCAATTACCAACGAGGTTGGATTGCAGCTACTCTGTATCCTCTTGGTTCCAATGTTGTTGTTTCGTACG  
GCATGCTGCTCCGTAGGGATCGTCTTACCTGTGTATTCCACCTTCAAGGCAATTGAGAAGAAAGATCAAAATG  
AGCAACAGAAGTGGCTTCTGTATTGGGCAGCCTATGGATCTTTAGCCTTGTGAAGCATTCTCGGACAAACTT  
CTTTCATGGTTTCCAGTGTACTATCATCTGAAGTTTGCGTTTCTTGTGTTGGCTCCAGTACCGGCAACTGATGGG  
GCGAAAAAACTATACACGAGCCACCTGCGTCCTTCTCCTGAAGCATCAAGCAAGAGTGGATAGGATTTTAG  
GGTCCGTTTCTGATGAAATGGTTAAAACCATTAGCAGACATCAAGCAGAGATTCAGTATTTTAGAACAATTGTT  
ATGAAAATATTGGGATCAGACGAACGATCATCAAGGCTTGGATCAGCCAGACCAATGGAGCTGGAAGAAGC  
CTACAAATTGAGGATCAAACTCAGATACAGAGTCCGACATAGATGATTGACTTGCTATTGCCACAATTTCTA  
TTCGCTTATGTAATTAATAACAATATCAACCCTATTTCTTGGATAGGTAGCTGCTTGAAAAATTGTCCATCAA  
ACAGTTTCTCGTCCTTTCAAATCGAAACAGAAAACTAATGGAAACATA

>trans\_c\_2476 NM\_120472|Arabidopsis thaliana hesB-like domain-containing protein (AT5G03905)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_2477 NM\_113878|Arabidopsis thaliana AFP3 (ABI FIVE BINDING PROTEIN 3) (AFP3)  
mRNA, complete cds

>trans c 2478 AY429438|Gossypium barbadense fiber protein Fb34 mRNA, complete cds

AACATATCTGTTATACTTATAGCAATCTTATTCCTTTGCTGTGAAAGACAAAGCAGAGTAGAAACTAAAGCAAA  
AAAGCTTTCAAGAAAGGCAGGAAGAGAGACAGATCTGCAAAGCTCTTCAGCTACTCAACAATGGCGTCAAAG  
CTACTGCTTTTCACCGTCTTTGTTTTGATGTCATTGCTTTGGCTTGGCCATTGCAGCTGAGCAAAGAAGAAGC  
ATTGCAAAGATAGTTGAAGACACAGGTGCAAAAAGAAACTATTGTGTATATGACTCAGACATTTCAACTGGAT  
TAGGAGTTGGAGCATTCTCTTTCTTTGGCTAGTCAGATCCTAATAATGGTGGCTAGCCGCTGCTTTTGCTGT  
GGGAAGCCTCTGAGTCCCGGCGGTTCAAGGGCTTGGGCAGTCGTTCTTTTTATAACTTGCTGGGTGTTTTTCT  
CATCGCCGAGATTTGTTTATTGGCGGGTTCAGCTAGGAATGCATACCACACCAAGTACAGAACATTGCTTACT  
GATACTCCTCCCTCTTGTCAAATGTTGAGAAGAGGAGTGTTTGCTGCAGGAGCAGCTTTCATTTTCTTCACTTC  
CATTGTTTCTCAGTTCTACTACGTTTGCTATTCGAGGGCCCGGAGAGCTTCAATCATAACAGCAAAGACACTG  
GCGTTGGCATGAGCACCTACAAATGAGCTACGTAAAGGTCGTTTTCAATCACGTTCCACTTCAAGATAGTTTTG  
CCTTTCACCTTTTGATGTTTTAATCCAGTTTATAGAAGCCTAATAGGTTGCTTTCTCTACTACTATTCTGC  
TGGTATTAGAAGATGAACAGTTACGTTGCAGGACATTATTTCTGTATTCTTTCATCCTTTTTGTATACCAATGGG  
ATTTGGTCCTTATCTGCCTCTTTTGATATAATTGTATGATGTACTCAAAGT

>trans\_c\_2479 BT005865|Arabidopsis thaliana At1g23710 gene, complete cds

AATGGAAGTTAGAGCTTCATAAAATTTGTGGAATAATTGAAAGAATCTCAGTCACTACAATGATGCAAAGAGGT  
GAAGGTTCACTACTCTTTCTCTCTCTCCAGCTTCAGCAGTACTCTCCGACAGATTGCGGAAATCGCCGCC  
CGTGTGCTCGAGGAATCCGTAAGAATCCGACACCGATCCCGATATTTCAACTGGAAACCTGATTCCGCTTC  
TTCTCTCCATTACGGACCCGAACCGGGTGAATTCAACCAAATACCTCAAATCCTACACGGCGGTAATGCTGAA  
ACAGAGACTTTAGATGAAATTGCGGACGATGAGTTCGAATTCGCGGTCGTTCTAGGGAGCCGGAAGAGGTA  
ACCATCTCAGCTGAGGATATCTTCTACAACGGTCAAATTAGACCGATTTATCCTGTTTTCAACACGAATCTTCTG  
TTGAGCGATTTCGATTGTAGATAAGAACAATAGCGGCAACGACGTTGACGTCAAGCACGACGATGAAAACCTTG  
AAGAAATCCAAGCCAAAGAGAGTACATCGACCGTCTCTTGGAATACTAATGAGCGAAGAGCGTGAGACGAAT  
TCGTGTTCTTCGTCTGAGACGGAAGAGCTAGACGGAGTTCTTCTGGAACGTACTGCGTATGGACGCCCAAGG  
AATCGCTCGAGAGATGCAAAAAGAGCAATTCTATGGGATCATCGAAGAGATGGAACTCCGAGACCTTCTAT  
ACAGAAGCAGCAGCGACGGAAGGAAACCTTCGTGTTTTATCATCAAGCAAAAGAGTCGAGAAATTCGCCG  
AAATCCCAAAGGAAAAAGGTAGTACCGGTAGCGGAAACGAAAAGTCCACCGGAAAAGTAAATCCAGCAGA  
GTCGCCGCCGCTGCGGCTGCGACTGCGACAGCTACCAATGTGAGTCCAACGGCGACGGTAGAAG

>trans\_c\_2480 NM\_001072179|Oryza sativa Japonica Group Os11g0129800 (Os11g0129800)  
mRNA, complete cds

AACAAATGATGTCGATTAATGGGGATCGGTTGCAAGGACATTCCAGTGGTGGTGACATATATGATATTATTCA  
ATATGAAGTAAGACGTGCTGTCCAAGATATCCACAGCGACATTCTCAATGCTCCACAAAGCAGTGCTGATGCT  
ACAGGGAAATTCTGATATCGATATCCCTCCTGAATTGGTGAATCCAGGCGCGATTGAATTGGAGGATTTGAAGA  
GCGAGTACATGAAGAAGCTCGAGCAGTCACATGAACGAGCTAGAAAACCTCGAGCGGACTTGGCAGTGAGAG  
GAGCATCGTGGATTACAGCTCAGTAGAATTTGCGGGAAGTAATACCAGCTCCTAAGACTTCTATGAGACGAA  
AAGCTAGCATCGAAAGAAGAAGGATGTCAAAGCGTCTAACCGACGATGCGTTGGCGTATTTTGATGAGTGTG  
TATCGTTATCAACATTTGATGGTTCTGATTTCTCATCTGGAAGAGACACCCCAATTCACCAAGCTTCTTCCA  
CTACCCAGGTGGAAGATGGCACCACCCCCAGGAACCAGCAATTGGAACCTCAACCGAGGTTGAGCAATACA  
AATTAAGACAGACATCTTACAAAAGCAGTAACCTAAGCAAACCTTGGGGAAGGCAAAGCTCAATTTTCCTTAC  
CAAGAAACCACATGAAAGCTACAGATTCAAACACGACATTGGGAAGTACATCCAGAAAGACGACACCACAGA  
ATCGCAAGTAGTAAGTGAAAGCATTGCAATATTTGAATGATACAAATTTGAAAAACGCCACGGAGAGAGT  
GCTGTTGGATCGAGTTGTTTTCAAAACAGAATAGAATCGGGTAGTTTACTACTGTGCGGTGTAAATTCTACTG  
CTTGTTCTCCTACTATGCTTCTATCATCTGATGAGTGTCAAAGGCACAGGTTTCGTATCCGGTTT

>trans\_c\_2481 NM\_001052325|Oryza sativa Japonica Group Os02g0131300 (Os02g0131300)  
mRNA, complete cds

AGACTCCACTGAACCATTTCAAGTAGTCTTCCCTCCGGTTCGCATATTGCCTCCTCTTCAAACCAGGGCTCTC  
TCTTCGCATATAATCTCACTCCCAATTCTCAATCCATTTCCATTCATCGAAGCATTCCAACAAAGGCGCAAGCTT  
AGCTCCACCATGGCTCTCTCATCTCGTCTCTTGTCCAAATCCAAGCAGGTGCTTGGCAGTCAAAGTATTTTACAC  
CAGGGGCATGCTTTTCTGTTCTGTCATTTTGCAAAAGAGGGCTGCTCGGCCTGCTCTCAAGGGAGATGAAATGC  
TGAAGGACATATTTTGAAGTGAAAAAGAAGTTTGAGACAGCATTGGCTGTTTTCAAGAAAGAGAAGATCA  
CAATTGATCCGGATGATCCTGCTGCTGTGGCTCAATACGCTAAGGTCATGAAAATGGCGAGAGAGAAGGCAG  
ATCTATTCTCAGAATCACAGCGAATTAAATACACAATTCAGACAAGAACCAAGACATCCCTGATGCCAGATCA  
TACTTGCTGGCACTGCAGGAGATCCGGATTAAGAGAGGTCTCAGTGATGACCTTGGTGCAGAAGCTATGATG  
TTTGATGCTCTGGAGAAGGTTGAGAAAGAATTAAGAAACCTCTCTGAGGAATGATAAAAAAGGAATGTCT  
ATTCTCATGGCCGAGTTTGACAAAATCAATCAAAAGCTTGGTATTAGGAGGGAAGATCTGCCCAAGTATGAG  
GAGCAGTTGGAACCTAAATTTCCAAGGCACAACCTGGAAGAGATAAAGAAAGATGCTCTTGAGGCAATGGAA

ACTCAAAGAAGCGTGAGGAGTTTAAAGACGACGAGATGGTGGATACGAAGTCGCTAGACGTGAGAACTT  
CCTGTAGATTTTCAAAGCTTTTTCATTTGTTTTGTGGTTGAGAAAAATCTGTCAACAGAACTG

>trans\_c\_2482 XM\_002878418|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

CTTTGAAACAAATGGTGAAAGTTTCCATTGTCAAAGCTCTTTTTCAGCCATTTCTTCAAGCAAGGAAACCATT  
GTTTCAAAGTGCCTTGTCTTCCCCAAAATTGTCATCATCATATTGTAAGTTTTGGAGTCATGGGCAAATCCTGGC  
TTCTGAGCAGCCCAACAGAAGAATCGAAATGCCGTTTTTCGAGCTCGTTGAACCTTGCTAAGACCTCCAAAA  
CCAGATCATGAGATAATTTACTCCACATTCATCAAGAACTGCCTCCATGTTCTATCTAAGGCAAACAATTCGT  
CGATCACCTTGCATACGCGATCGACTTCAGTCGAATCCACCCTCGAATCACACTCACGATCATCATCCTCACTCT  
TCTCACATTCAATTCAGAATCAGAATCAGAATTATTCAAATCGCAATAGCCTCTAGCTAATAAATCAAGACTA  
GGGAAGAGGGGATTTCTGAAATCAATCGTTCTTGAAGGTGGAACAATCAACAATTTTTCTTGAGGAACAGAG  
AATGAAGAGGCGTATGGCAAAATAAATGGAATTTGACAATGAGAAGAATGAAAACACGATGAGAACGAGA  
ATCAAACATACTAAACAAGGGCACAGAGCTACAACCAAGAAGTCGCATTTTCCATCTGAATCTTCGTCCTTGTC  
GTCCCATCGTTCTGTTGAATCCAGTATCCGGCATTGTAAATGCCTGCCGTGAAATCGGAGAAATTTGAAGCTCTA  
CGGAGGGTTATTAGAGATAGAGACATCGGAGTGCCATGAATTTGATGAAGGAGGAGTTGATGGAATGCGTG  
GGAGAGTCTAAATCGCCGGAGGTTACGGCGGTGGAATAATCGAGTGGAATAGCGGAGGGATTGAGATTC  
ACTGTGTAGTGATGTTGTTGGCGGAAGTTGATAGTCATAATACCTTACCCTCAAGAGAT

>trans\_c\_2483 XM\_002883636|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPVPS11, mRNA

AATCCAAGATGATTGAAGAGGATAGACGTGCAATTGAAAAGTACCAGGAAGACACATTGGCAATGAGAAAA  
GAAATTGAAGATCTCAGGACAAATGCAAGAATTTTTCAGCTTAGCAAGTGCATGCACGTTCACTCTTG  
ATCTCCCCGCTGTACACTTCATGTGTATGCATTCATTCCATCAGCGTTGTTTGGGGGATAATGAAAAAGAATGT  
CCAGAGTGTGCTCCAGAATACAGAAAAGTCGTAGAGATGAAGAGAAGCTTAGAGCAGAATAAGGATCAAGA  
TCAATCTTCCAGCAAGTGAAGAGTTCAAAGATGGTTTTTCTGTGATTGCCAGTACTTTGGTAAGGGAATCA  
TTAGCAAAACCAAGTAATGGAAGTGTGAATGCTACAAACCCAGAGAATGCTTCTTCGACAAATGGCTTTTAGTT  
ATGATGGTTAGAGAAGGTGCTTGTTGTGGAATCCAGTTCATTTCCCTCATGCTCTTGAGTTCCTATCTATATG  
AGGAGGGAGCTTATACAAAAACCTATTGGACTCGCTCTCAATAGTGGGATGGAAGGAATTCGTTACGTCA  
GTTTCTGCTTCATCGACATTGGTTGTGTGCTCCAATCCCCCATGTTTGAATGTTGTAATAAAAAAGACATTTTAT  
GTGGTCTTCTTTGCAATGGGTTTGAGGGAATAGATTGATTGTTTGTGAGATCATTTTTGTGTTTCATCCC  
ACTCCCGCTCTGAAGCTGTTCAAGTTAGCTTTTCTTCTTGACATGTTGCTGTTAACTTTGTAGTGAGACTCGGCT  
CTGCAGACGCAAGAACGCTCTTCGATGGTCTACTCTTTATACTGATTCTGTTTTGCTGGAGAGATTGATATATG  
TGTTGAGATGCTGGGTGTGAAGATATGGCATGGTTGGGATGAAGATAATCTACTTA

>trans\_c\_2484 HM051059|Salvia miltiorrhiza ADP-ribosylation factor mRNA, partial cds

AGAAGGCCATTATAAGAAAGGAAAAAGGGTTGCGGTAAGATATTGTGATCTCCCTTTCCCTTCAGATCTGTC  
TCCTGAAGGCCCAAATTCAAGAGTTCTGTGATTGTTGCTCATAGAGGGAAGAAGAAATGGGGTTGACCTTCA  
CGAAGCTCTTTAGCAGGCTCTTTTCTAAAAAAGAGATGCGTATTTTGATGGTGGGTCTCGATGCTGCTGGTAA  
AACGACGATCCTGTACAAGTTGAAGCTCGGAGAAATTGTTACCACCATTCCAATATTGGATTTAATGTGGAG  
ACTGTGGAGTACAAGAACATCAGCTTTACCGTTTGGGATGTTGGTGGTCAGGACAAGATCCGTCCACTTTGGA  
GGCACTATTTCCAGAATACACAGGGCCTTATTTTGTGTGGATAGCAACGATAGGGACCGAGTTGTTGAGGC  
AAGAGATGAGTTGCACAGGATGTTGAATGAGGATGAGCTTAGAGATGCCGTTTTGCTGTATTTGCTAACAAG  
CAAGATCTTCTAATGCCATGAATGCTGCAGAAATAACTGACAAGCTTGGTCTTCACTCTCTTCGCCAACGCCA  
CTGGTACATTCAGAGCACATGTGCGACATCTGGAGAGGGTTTATACGAAGGTCTAGACTGGCTTTCCAACAAC

ATTGCTAGCAAGGCCTGAAGCGAATAAATGATTTTGGTGGTTGTTCAAGAATTTGTTTCAGAGTTTCCTTCATTC  
TGGGACCAATAGTTTTCGTTTAATTTTCAGTGATAGTTGGGAAACATTTGGCTAGACCTTAAAATGTA CTCCAAG  
TTGTCAATTGCTTCTTTAAGCTTAACTTCTTAGCTCCTAGAAAGTCCATTATTGTA CTGTTTTCCATTCAATACCA  
AGTTCAATTTTTATCTAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2485 GU295067|Gossypium hirsutum RNA helicase-like protein mRNA, complete cds

ATATTTGTGCGAACAAGAAACAGTGCAGGCATGTTACATAAGGCACTAGTTGATCTTGTTATGAGGTGACTA  
CTATTCAAGGGGCATTGACAAC TGAATTAGAGATAAAAATAATAAAAGAGTTCAAGGATGGTTTGACCAAAG  
TTCTTATTTGACTGATCTTCTAGCTCGAGGCTTTGATCAGCAGCAGGTCAATCTAGTTATCAATTATGATCTTC  
CTCTTAAATATGAACCTTCTCCACAAGCAACAAAATATAGATCTTCTCGTTATCTGAGCCTAACTATGAGGCG  
TACCTTCATAGAATTGGTCGGGCAGGTCGTTTTGGGCGCAAGGGAGCTGTGTTTAACTTGCTGTGTGGCGATG  
AGGAAATCATGCTAATGGACAAAATT CAGAACCATTTTCGCTCCGAAATAATAGAGGTCCGAGACTCCGATGA  
AGACATTCAAGCAGCCTTAAAAGCTGCCGGATTGGTTTGATGTATAGAAATGAGTTTATCATAGTTGATTTCA  
GCACCAAAGGCGATAAACACATGGAACAGTTGGATGAAAAAAATGGATTGAATCAAAACGGCACTTGCCA  
GTTTTTTGTTTTGCTTTGACGTTGAAAGGAAATTACATCTGGTTGAGGTATTCGGTGTGTTTGAGTTTGTATATT  
TCTGGCGTATGGTTAGACTGTTGTATATTTGTGATGGTCACGGGAGAGCATCACAAGTTAAATGTCAAATTC  
GTTATTTAAATTCTAGAGATATGTATCTTTATGGACCTTAACTTTACATTTGTTTAAATAAATTTCTGAACCTCTA  
TTTTTGATGCATTAAGGTAAATATGCATTAAGGAATTATTTATATTGTTGCCTTCCTATAATTTTAAATTTTAA  
TAAGCTTCATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2486 AY110064|Zea mays CL27003\_1 mRNA sequence

AGGAATCGAAGGAGCTACTCTAGGAGTCTTACCCCATCCGAAGGCCAAGGTCACCGACATCTGATAGAGGG  
ATGAGTGCATCAAGAAGTGTCTTCTCCAGAAGGGTCTCAAAGCGCATCAGAAGGGGGCGTGTTTTAGTGAG  
CGTTATTCATTTGCTCGTAGATACAGAACACCTTCTGCATCTCCTGTCAGGTCATACCGTTACAGCGGAAGAGT  
TGAACGTGACAGATATTCAAACTACAGAAGATATTCTCCTAGGCGCTATAGAAGCCCACCGCTAAGATACAGG  
CACAGAAGAAGCAGGACTCCCTCTGCATCCCGTAGTCCTCGTTACCGTAGTCGTCGTTATAGCCGTAGCCGAA  
GCCCCATCAGGAGCCGTTCCCCAGTTGAGGGATCCAGGTCTCGTTTGCTCCTAGAGTAGGTAGGCGGAGATC  
TCTTTCAAGGAGCAGATCCCCATCAAAATCAAGGTCCCCTGCTGATTCTCAATCCCCCAGAAGAACGAGCAGA  
AATAGGTCCAGGTCGCCTTCTGCGAGTCCAGTTGGGAAAAAAGGTCTGGTTTCTTACGGTGATGGATCTCCAG  
ATTGATAGAGGTGAAAAAGATAATTGAAAGAACGAAGGTGTTGAGCTCTCTTCTTGTCTCCTCGAAGGAGAA  
AAAAAAACAATCCTTATGATTTGCTGGAGACCCATCCAAATGGATTCTAGGCTACTGTATTAATCCCGGCT  
TAGATTTGTATCAGAGTATGCTTCCTAGGATATGTAGTGAAATAATATTGTCTTGATCGTTTTTTTTTTCTTTT  
GGTATTCAGACAGTGTGTTGTATGTTGTAGGTGCTTGGCCAGTTTGGGTAAGATATTCGATATCTTGCCTTGAT  
GATTAATTTGAAGATTCTACTTGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2487 XM\_002873779|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pyruvate decarboxylase family  
protein, mRNA

GTTGAAGCAATTTGCGAGAAGGCAAAGGACAATGTGGCGAAAATGGAAGTTCAGCTGGCGAAGGATGTTGT  
GCCATTCAATTTCTTGACGCCAATGAGAATCATTCGAGATGCTATATTGGCTGTTGGTAGCCCTGCACCCATAT  
TGGTCTCTGAAGGGGCCAATACAATGGATGTGGGTGCTTCAGTTTTGGTTCAAAC TGAAGGACCAAGGACCAAGG  
TGATGCGAGAACATGGGGGACCATGGGGGTTGGCTTGGGCTATTGCATTGCAGCTGCGGTTGCTTCGCCTG  
ATCGTTTGGTAGTTGCAGTGGAAGGCGATTCTGGATTGGGTTGAGTGCATGGAAGTTGAGACACTGGTG  
GGTATGAGTTGCCAGTGTTGTGATAGTTTTCAACAACAGTGGTGTATATGGTGGCGACCGGAGAACACCAC  
AAGAAATTACTGGACCCTATAAGCACGATCCTGCTCCGACCTCCTTTGTCCCATCAGCTAGTTATGACAAAATG



ATTGAGGCGTTTGGTGGTAAAGGATACTATGTCGAATCACCCGAGGAACTAAAATCTGCACTAGCTGAGTCCT  
TTTCTGCTCGGAAACCAGCAGTTGTAAACGTCAAGATTGATCCGTATGCCGGTGCAGAAAGTGGAAGGCTGC  
AACACAAGAACTGAAGTTAAGTCCTTACTTCTGTGTTGTATTTCTTTGCTTAAGACTCTGTGCAAATGAATTAG  
GTTTGCAGCCGAGTTTCAAGCTAACAAAGCTTAGTTTTCACACTCTCTTTCTCTTTATTTCTTTCTTTTGTAGC  
CTATAATCATGTAAATTATGGCGTTCGAATAAAATTGAATGTAACCTGTAAAGCCAGCAGTTGGATAAATGAT  
TTAATAGAACTTCAAGCTTAAATCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2488 HM245629|Glycine max AN1-like transcription factor (AN1) mRNA, complete cds

CTTCATATTTCTTCATTTCCATCTTTCTCTCATCCTCTCAAGAAAAACCCAACTCCTAACCCAAATCTTCTCGTT  
CTTATCATCTTTCTTTGAATCTCTCCGGGGATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTCGTTTTCGTTTGAGGATCCGAT  
CGGAAGCTATGGCACAGAGAACCGAGAAGGAGGAGACGGAGTTCAAAGTACCGGAGACGATCACGCTCTGC  
GTCAACAACCTGCGGCCTTACAGGGAATCCAGCGACGAACAATATGTGTCAGAAAGTGTTTAATGCTACGACGA  
CGACCGCATCTATGGCGATGAAGTTTTCCGGTGAGAAAAGTCCGAGATCTACTATTTCTCGCTCGCCTGAGAA  
ATTTGCGTTTCGTTTCAGAATCTAGGAGGATTATAACGGCGGCTGATCGTCCGAAGCCTGATGAATCGGCGAAA  
CGAGAGCAGAATCGTTGTTCTGGATGTAGAAAACGCGTTGGATTGACTGGATTAGATGCCGATGTGGTGAT  
TTGTTCTGTGCGGAGCATCGGTATTCAGATCGTCATGATTGTAGCTTCGATTATAAAGCGGCTGGTCGTGAGG  
CGATCGCGAGGGAGAATCCGGTGGTGAAAGCGGCGAAGATCGTTAGAGTTTAAATTCGTAGATCGATTGATT  
ACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGCGAGAGAAAAAGAATCTGATGATGATTGAAATTTGTGCAAAAAGAAAA  
GAAAAAACCTTGGGCTGATTGTTAAAAATTTCTTTGGAGTATTGAAGGATTAATTCCTCGAAATATCCTCTC  
GATCGAGAACGAGAAAAAAAATCGTTGATGAAGATGATGATCGTTGTGGTTTCTGAGATAATTATGTTCTT  
ATCTTAATTTTCATTTCAATTTTATATTACTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2489 AY058069|Arabidopsis thaliana At2g46080/T3F17.27 mRNA, complete cds

TGACAGCTCTTTCTCATTTCCACCACGCGAGAATTTCAACGTTTTTCTGGCTGCGATAGTTTCTTAGAAATTTCC  
TTTGCTTTCTGATTTCTGAATCTGATGTTTGGGGTTGATTTCTTGTTGGATTTTTTCATTCGTCTGCTCTAAACGAA  
TTGCTTGTTTCGTAGATCTACGAATTGTTAGTGTTACATAATGAGCAAACCACAAGAGCCGCACCGGCCTTTCTT  
TCCTTTTGGGAATCCTTTCCGCGCAATATCACAAAGGGTGCAAAAGTGCTTCTAGACTTGTTTTCTTTTAGC  
TACTTTTGAGGATTCCTTGGCAGAGAGGCTGAAGAAGCTTACTCCAAAATCAGAGAATGACATACTCAGCTTC  
TCATGGATGGAATTAGCAATGAAGCTGCTGCGTGAAACTCACAATAACGTAAAAACCTTATAGAAGAGCTTG  
GGTCCCTGTGTCTGAGTGGGATGAGAAATGGCTAGATGAGTATCTGAATATCAGTGTGAAATTACTTGATAT  
ATGCAATGATTTTAGCTCTGAGCTCTCACAGTTGAATCAAGGCCATCTTATACTTCGTTGTGCCTTGACAATCT  
GGAATCTACATCTTCCAACAGTCTGTTTCGTGCCCTTCTTACTAGATGCATGGAATCAACATATTAGTTCCAG  
AACCTCTAGAGTGGATAGCGGTTCTCCTATTTTGGACGGTCTCAAGGAATCACTTGATCTTCCTAAGGTTAAGA  
ACTCATCAAAGGCAAGTTTTGATGCATGCGTTGTACGGAGTGAAGGTGGTGACTTTGTTTATTGTCAGTGT  
TTTTGCTTCTCCTTCTCAGGTTCTTCCGAATGGTTGTTACCCACCAATGTTCCGGATTCAATCAGATGGGCAAG  
CGCTTTTACCGAACTACAGAAATATGTAATATGGAGATCAGGGGG

>trans\_c\_2490 AY106067|Zea mays PCO144871 mRNA sequence

AAATAGCTAAACCCTGAACCCTAATACTCTTTCTTCAACGCCTCCATCACAACCGTCTTCCTTTAGCTGCTCAG  
TGCCGACGGCTCGTTCTTCTGCTCGCTCCGCTTCCGCTCCTTCATATGTTTGC GTTGATTTTGATATCTATTGTT  
GTTATTGATTTGCATTTTGAGAAACAAATCTCCATAAACATGGCGGGGCTTCTATTTAATGATGTTTTCAAGG  
TCAAGTGTGTCAACCCGATGGTAAAAAGTATGATAAAGTTTCTAGAATTGATGCGCGGAGTGAGAAGCTTTT  
CATGTCTATGCTGCTGGATGTAAATACAGAGATATATCCTATTGATGAAGGTGAGAAGCTTCTGATGGTCCTG  
TCTCCACGTTGAACTATGATGGATCTCCTGTTACCAGCTATAAAGATCAGGAAGGGAAGAAATCTCTAGCAG

ATAAGTTTGAGTACATCATGCATGGTAAAACATACAACTTTTCAGATGAAGGCTCAGGTTCCGACTTGAAAGT  
GGAGGTTTATGCATCTTTTGGAGGACTCCAAATGCTGTTGAAGGGAGATCCGATCAACTGTGCCAAATTCAGG  
GTGGATCAGAACATGTTCTTGCTCCTTCGAAAACCTCACATGAACCATAAAAATCTCTACTACTTGTGTTGCTCTCA  
TGGCCTTTTGTATTACAGAAATTGTGATAACTCTGCATAACTATTGATCATATTTGCAGATAAAATTTGAATTG  
AAGATTTTTACTAAATCGATCTTCATAGTCGCTGTATGGGTAGTGCTATCTTAAAATTTCTAGAGGTCTGTTTT  
TTTCACTCAACATTGGTGAGTGTTGTAATAGTTCTTTCTTGTATCTTTTAAAATAATTTAAAAATAATCTAACT  
ATATTATTGACTTATGATTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2491 AL161515|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 27

ACCACAAAAAATAATTCCTCCCATCCCCAAAACCCACAAAGAACTCAAATCCCTCACCGGACTCGTCATCAAT  
GGCCGCTCTTCACCAAACCGCCGCCTCTCTTCAGGCCAAGCTCCTTCCAACCGCTCGAATCTCCCGAACCACTC  
CCGTAAACCTCTCCTTCTCTGCCACTTTTCTTCTCGCGGACTCCGCCTCGGCCAACACCGCTCTCACGGCGGCG  
CAAGAATGTCGGCCACAGCCGCCGAAGCTACGCTGCAGCACTAGCCGAAGTGGCAGCGTCGAACAACACAC  
TTGACGCCACAAGCAGTGACGTGGAGAAGATTGAGAGCGTGTTTCGCGGATCCACAGGTGTTGGATTTCTTCTC  
GAATCCAACGATTAGCGTGGAGAAGAAACAAGCAGTGGTGGACGAAATCGCTTCTTCGTCTCTCTACAGCC  
GCATTACGCGAATTTCTTGAAGATCTTGGTGGATGCGAAGAGAATCGACATCCTGAAGGAGATAGTTACGGA  
GTTTGAATTGGTGATAACAAGATAACGAACACGGAAGTTCGGTGGTGAAGTTTCGGTTGTACAATTGGAGCA  
GCAACATTTGGCACAATCGCGAAACAGGTGCAGAAATTGAGTGGAGCAAAGAATGTGAGGATAAAGACGC  
AGATTGATCCAAGTTTGGTGGCTGGATTACAGTCAGGTTTGGGAATTCTGGATCCAACTCATTGATTTGAG  
TGTTAAGAAACAGCTTGAGGAAATTGCTGCTCAGCTTGATCTTGGCAATATTCAACTGGCTGTATGAAATTGA  
ATTGCAAGTGCATTTTGTGATTTTTATTTTATTTTGTGAGTGGTAATTAATAATTATTGGTACTATATATATA  
TATATGCAATATAATATTTTGGTGTACTTTAATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2492 NM\_180719|Arabidopsis thaliana RHF2A (RING-H2 GROUP F2A); protein binding /  
zinc ion binding (RHF2A) mRNA, complete cds

TTTTCTCCCTTTTCTCTCTGATTATCATTTTTTCTTCTCTTCTCCTCAGTGGATTCTGGGGGTATTAAGGATTT  
GTTTGATATGTTCCCTAGCAGCAGAGATTTTCTCTGGGTTTGGGGAAATTTTCTCATTTGAAGCGCGATCTGA  
TACTTTCTATGGGGTTTTTGGTTGAATTTCTCAACCCATCGTCTGGGTAATTTTCAATTTGTTTATCGAGTTTT  
TAGATTTTGGAGATGGAAGAAGAGAAGGATTCTGAGAATCGTTTGACATCAGCTGCTGCTTCGTGGAAGGG  
GGGATTCAAGAAGCTTGTGATGATGCTTGAGCATATGCCTTGAGGATTTTGTGAAAGTGATCCTTCTACGG  
TTACTGCTTGCAACATGAGTTTCACCTCCAATGCATCCTTGAGTGGTGCCAGAGAAGCTCTCAATGCCCTATG  
TGCTGGCAATCTATCAGCCTCAAGGACCCACAGTCAAGAGCTGTTGGAGGCTGTTGAACGAGAGAGGAAT  
ATAAGGGCTACTCCAGTGAGAAATACTGCTGTGTTTCATCATCCAGCTCTTGGGAATTTTGAAGTTGCAACATCT  
ACCTCTTGGTGTTAATAATTCCGAGCTTGAAGAGCGAATAATTCAACACCTGGCTGCAGCTGCTGCAATGGGG  
AGGACACACCATATTGGTAGAAGAGAGGGAAGGAGTAGGTCATCATCTCATGGACGTCCTCACTTCTTGGTTT  
TCTCCACTCATCCTGGTGGACCTCCCGAGCATGTCTCAGCCTCTGGAGTACACACTGAGCCAGCCGGTATTACC  
GTTGCTAGCCCATCTAGCCCACTAACACCTCGTGGGGATGAACCATCACATCATATTGCACAGTTTCCTTCTATT  
CAGACAGATCATGTTTCTCGTTCAGCATCTGGATCTAATTTTCAGCCAGT

>trans\_c\_2493 XM\_002870855|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

AGATATGGATGCAAGTCCTTAAAGAACTTGATGTATCGAGTTGTCCGAATATTAGTCCTACTGGGCTATCTTC  
CCTGACCCGCGCTAGTGCATCTTTACAGCAGCTTACTTTAGCGTATGGCTCTCCTGTGACTCTTGCTCTGGCTAA  
TAGTTTAAAGAACTTGTCATGTTACAATCAGTCAAATTGGATGGCTGTGTTGTTACTTATGATGGACTTGAAA  
CCATAGGAAATTGCTGTGTATCACTGAGTGAAGTGAAGCTTAAGCAAATGTGTTGGTGTGACTGATGAAGGTCT

CTCTCCATCCTGAAAAACACAAAGATTTGAAGAAGCTTGACATAACTTGTTGTCGCAAGATAACTGACGTTT  
CTATTTCAAATCTTACCAACTCTTGTACCGGCCTAACTTCTCTAAAAATGGAGTCTTGTTCTTGGTTAGCCGAG  
AAGGATTTATCCTGATTGGACGAGGATGTCATTTACTTGAGGAGCTGGATTTAACTGACAACGAAATCGATAA  
TGAAGGTCTGAGATCATTGTCTAGGTGTTCAAAGCTCTCCATCTTAAAGCTTGGAATTTGTCTGAATCTTAATG  
ATGAGGGACTTGGCCATATCGGCATGTGCTGCTCCAAGCTTTTGGAGCTAGATTTATACAGGTGTGCAGGAAT  
TACTGATTCTGGCCTTTTGGCAATCATCCATGGTTGCCCTGATCTTGAAATGATAAATATAGCATATTGTCGTG  
ACATCACCGACACGTCATTTTCAACCCTTCGTAAGTGCTCGAGGCTAAAGACAATAGAAGCTCGAGGATGCCC  
ACTTATAACATCTTCTGGCTTAGCAGAAGCTGTGGCAGGATGCAAGTACTGAGGAGATTAGACTTTAAAAAG  
TGTTGCAATGTTGATGATGCTGGCATGATCCCTCTTGCTCATTTCTCTCAA

>trans\_c\_2494 XM\_002307948|Populus trichocarpa tubulin folding cofactor (TFCFB), mRNA

GAGTGAGGATTGTGCTAAAGTCATCAAACGACTCTCAAATGAGTGTCTAAGCGAAAAGAAGCTGCAAAAGAA  
CACAACATATGGCGTCTCGATTGCAGCAGATCGAAAAGGATGAATCCGTGCTCTTGCGTGTCAACCATGCCAAT  
CTCAAGTCCTTACATCCGATGTTCTGTTTTCCCTTCAGATGAGCGTGGAGTCTGTCAAGGAAAAATTGTGGAG  
AAAATGTGGTACTTCTGTGAACTCTATGTGCCTCGAACTCTATGATGATTCCGTTCTAAAATTTCCGATTTGAC  
GGATAATTCCATTCCCTTGGGCTTCTATTCTCCCTTAGATGGGTACCGGCTGCATATTATTGATCTTGACCCCTC  
ATCAGTTACTTCTGGTGGTTGGCTGAAGATACCTCCCTAGTGGAGAAGTCCAGATCTCTGAAGAAGCCTAT  
GATAAGCGTGATGACACATTTAGAAAATTTAAAGAAAAATTGGCATCCAGAATCCTTCAGCGTTTGAGAGTA  
AAATATCTGATAACTACATGGAAGAGCTCTGTGCAAATATTAAGGGTAAAAGGGATCCACTATTTCTATTGCTC  
TCCTCTTCATGGTGCATGGTTAGGCCCCACAAAGTGAAGGTTGGCAACTATCCTGAACGGGACCTTTTCGAC  
GATGAAGAAGATGAGATATGAACAGTTCATACTCAGATTGGTATTTGTAGCATTTGTGGAAGTAGCCAACCTA  
CTTTCTGAAGCCTTGATGAATTGTTGATTTCTTTTGAAGTAATAAAGACATTTTGAGCTTCAGATGGCTTTTGC  
TCATGGTGGTTTGATATGGTTTCACGAGCTTACTTAAAGGAAGCTATTTTTCTGCTGGGAATTTCTCGAGAG  
AAAACATAAAGAAAACATGATGACGTTGAGATCTTCGGGTGATGTTGTATTGA

>trans\_c\_2495 BT006277|Arabidopsis thaliana At3g56360 mRNA, complete cds

GAGAAGAATTTGTATTTTCGTTTTCGAGTAACGCGATTGGTGAATCCTTTTCGAGAAAAAATTGATTTAATCC  
TTTCGATTTAACCAGTCTCGTTGCCTCCTCCACCGGCGCCGTCGTTGTTTGAATCAATCACAATCTGACTTTCCA  
ACCGAAAAGCGATTTTCAAGAAATATTAGGGAAGGCAATCAATCGTCTTCCCCATCGTTCAATTGTTCTTTA  
ATTTGTCTCTGCAATCCAATCCAATCCAATCCAATCCAATGGCTTCTTTAGGAATTCGATGTGGAGGAA  
ATTGCGGTGTATTGAATCTTAACAACGGATGCGATCACAAAGCATTCCCTCCTCCTCGTTCTCTAGTCCTTTCCA  
CCGCAAGATTAAGGAAATCGAGGAGTTACATTACCGCGATGAAGAGTTTAGAGCCGGTGAATCGAAGAAAAA  
ATGGAAACGATGAAGTAATTTCTCGCGAGAAGTTAGATGAATGGATGAAGGAATCAGTGTTGACATTGTGA  
AGAATCTTCGAGAGGCACCTCTGTTTGTCCGATTTTACAAAGAGAATGGGAAAACGGCGAGATTCGAAACGG  
AGAAGGGGGTGGAGGAATATAGATGGCCGGTCTTGAAAAACAATGAAAAACGGAGCAGAACCGACGCC  
GGAAGGGATCATATTCGTACAAAAGCTTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAGGGGGAA  
GAAGAAGTTGAAATGGAAGGGGAATCGAAGGCGTGGGGGATTGTAGTACAAGGGAGAGGAGTCGAAAGA  
GGAGCACCGGTGTGTTACTTGTTGAAGACGAGTAGAGCGGCGGGGTAGGGCTATGGTGTACGCATTACTGC  
TTGGTTAGGGTAAGAATTCAGAGAGACGACGAAATCGCAGCTTCAAATGTTGGGTGATGCATAATC

>trans\_c\_2496 HM122454|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH16)  
mRNA, complete cds

ATCCTAATATGGTCGATCATCGGCCAGCACTACCCTCAAATCCCTAATCTTTTTCGATTCTTGTCGTCCTCTAAAT  
TTCACCTTCTCCATTTTCTCCCTCCTCAACCGTTCGAACCCTAATCCTAACTCTCCTCTTCTAAATTTCTTTTCAAT

TTTCATTCCCATCATTTTTCCAATTGTTCTGGTCGGATTTTATTATTTTCCGACAATCTCGCGTTCCTTTTTTCAAT  
ATTTGTTTGAGAAATGGTATCCCCGAAAATCCCAATTGGTTGTTTGATTATGGTTTGATCGAAGATATCCCTG  
TACCCGATGGGAATTTCCCGGTCACGAGCTCAAGCTTCACTTGGGCTATTAGCCCTTTAACGGCGCCCATGAT  
ACCGGTGTGGAAATTGATGGATCGTTGGCAGATGTGGATGGCCGTCTAGAATCAGGCTCAAAGAAGCGGGTT  
AGATCTGATTCTGTAGTGCATCAAGCTCCAAAGCATGTAGGGAGAAATTGCGGAGGGATAAGCTCAATGAC  
AAGTTTCTGGAAGTGGGCTCCATTTTGATCCTGGAAGACCACCCAAAACTGACAAGGCTGCAATTTTAGTTG  
ATGCAGTTCGAATGGTGAATCAGCTGCGTAGTGAAACACAGAACTAAAGGAGTCAAATTCTAGTCTCCAGG  
AGAAGATCAAAGAGTTGAAGGCTGAGAAGAACGAGCTTCGTGATGAGAAGCAGAGGCTCAAGGCAGATAAG  
GAGAGGCTAGAGCAGCAAGTAAAGTCCATGCCTGCTCAACAACCTGGCTTCTTACCACCAATACCCACATTTT  
CTGCTCAGGGTCAAGCTCCTGGCAATAAGTTATTTCTTTCTGTTGGTTACCACCCAAGTGTACTATGTGGCAA  
TTCATGCCACCTGCTGCGGTGGACACGTCACAGGATCACGTACTCCGGCCA

>trans\_c\_2497 NM\_125086|Arabidopsis thaliana lactoylglutathione lyase family protein /  
glyoxalase I family protein (AT5G57040) mRNA, complete cds

TGGCTTTCATTTTCATCGTGTTCCTAAACGCTCCACAAATGCTCACTTCATCGACAAGATAAAGCGAGGGAAGGC  
TGACCTGCTCTGTAATGGCGTCCCCTCTCAGCCCATCAACTCCGCCATCCGCCATTAATCTCAAACGCAAGGTG  
AATCTTCTCAATTTAGTTCTATATCTACAACTCTTATTAATAAATCTGGGAAAATTGAAAGAGTTGGTGG  
TTGTGGTTATCATGGAATTTGCTTTACAACAAGAGCCAAGGGGGGAGTTGAGCAAGATGTGCTTGAGAAGAG  
TAAAGAGCCAATTGAAATTGATGTTGAGAACGATTATGGAGCGGTTGGCGTTCACCACGTTGGAGTACTCTGC  
GAGAATCTGGAGAGGTCACCTTCACTTTTATCTAAATATTCTAGGTCTTCAAATAAACGAAGCAAGGCCACACG  
ATAAGCTTCTTATAGAGGTGCTTGGTTGTGGGTGGGTGCTGAGATGATTCACTTGATGGAACCTTCAAACCC  
TGATCCTTTATCTGGACGACCTGAACATGGAGGCCGCGATCGTCACACTTGTATCGGAATAAGGGACGTATCA  
AAGTTGAAAGCAATCCTTGATAAAGCTGGTATTCCTATACGCTTAGCAAGTCAGGAAGGCCAGCAATCTTTA  
CAAGAGATCCAGATGCAAATGCTTTAGAATTTACTCAAGTGGATGGCTGATTGAGTTCTTGTCAAATAGACTC  
CTTTTACTATCTATGAGCTTCCACTGCTTTAAACACCTCACGATCTTCAAATCACTGAAAAGGTCAGTTGCAATA  
TACTATGGGTTCCGATGAACAAACAACATGATATCATCTTACTGCAAGGAACTAGAATATGAATATATGTAT  
GCATGTCGCGTACAAGTAAGCCAGCAATATGCTATAGCCTGTNAATGTATAAACCG

>trans\_c\_2498 AB079577|Suaeda japonica mRNA for RelA homolog, complete cds

ACATGGCGCACCTTGAAGTGCAAATTAGAACAAAAGAGATGCATTTGCAAGCAGAGTTTGGCATTGCAGCTC  
ATTGGAGATACAAGGAGGGCGACAGCGAATACTCTCCATTTGTCGTTGAGATGGTTGAATGGGCCCCGTTGGG  
TAGTCACTTGGCAATGTCTGTCTATGAGCAAAGATGGATCGTCAGTTGACTGTGCTGATTCAATTAGACCGCCC  
TGCAAATTCCTTCTCATTCTGAGGGCTGTCCATACTCGTACAAAACCCAATGTGATGGACAAGATGGACCTGT  
ATTCGTCATAACGATTGAGAATGACAAGATGTGCGTTCAAGAGTTTCCTGCAAACCTCAACGATCACGAATTTA  
ATGGAAAGATGTGGTCGAGGAAGCGCAAGATGGACCTCCCATGGCTTCCCATGAAAGAAGACTTGAGGCCA  
AGAATTAACCACAAGCAAGTGAATGATCCAACGTGCAAGCTGAAGATGGGCGATGTGGTGGAGCTAACTCCC  
ACCATACCCGACAAGTCATTAACAGAGTACAGGGAAGAAATCCAGCGAATGTATGACCGTGGGATCACGGTA  
TCAAACCCCGGACCGTCTCCTGTTGCTCCTAACATTGTTGGTTTCTGGAGCTAACCATACCTTAGTTTCTCTGTG  
GTATACAATTAGTGATTATCAAATTATTCTGTATATAAGGGTCTTTGTACACCAAAAAATGAAAAAGAAAAAA  
GATGACTAACTGAAATTCACACCGTTCAAATCAAATTAAGAGCACTCTTGTGGAGAGCATTCTTGAGT  
GCTCAATCTGTAGGAATTCATTTTATTAATATGGTTTTCTTTCCATCATTATCATGTACTGGCTTATTAGTT  
GTGATTTGAAGACAATTTGAGAACTTTATAGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2499 NM\_102530|Arabidopsis thaliana ATU2AF35A; RNA binding / nucleic acid binding /  
nucleotide binding / zinc ion binding (ATU2AF35A) mRNA, complete cds

>trans\_c\_2500 AF375452|Arabidopsis thaliana AT4g27450/F27G19\_50 mRNA, complete cds

>trans\_c\_2501 AY062821|Arabidopsis thaliana Unknown protein (Z97343.41) mRNA, complete cds

AGTAAGAAGAAGAAATACAGACAAGTTCACCTGCCATGATTCTCTCTTTATCTCTAATTCTCTTTCAATTTAGA  
AGCTCCAATTCCTTCATCAATGGCCTCCAAGATTCTTCTCAGGCCGTAATTTCTATTCCAAGAAACCCCAATCA  
ATGTCCACCAAGAAGATTAGGGTTTTGTTCCGCAGTTTCTGGTACTCGTTTTTCGTTTTCTACTCTTTCCTCTAGT  
TCAATCGGCTCCCATTTTTCGTCATACTGTTTCGGCGCCGTTGAAACGGGCGTTTGTTGTGAGAGCTGAGGCGA  
ATCCCGAAGCGGAGTCGGCAGCTGAAGAAGCTCCTGAAGCTGAAGTAGAAGCAGCAGTGAGTCTGATGCT  
CAGCCTGAGGAGGAGAAGCCGTCGAGAAAGCCTCGTGTTAAGCTCGGAGATGTAATGGGGATACTTAATAA  
GCGGGCAATTGAAGCGTCGGAGAAGGAGAGGCCGATTCCAGACATTAGAAGTGGTGACATTGTAGAACTTA  
AACTGGAAGTTCAAGAAAATAGGCGTAGGCTTTCTGTTTATAGAGGAATTGTCATATCAAAACAAAATGCTGG  
CATCCACACTACGATTAGAATTCGCCGAATTATTGCTGGTGTGGTGTGGAAATTGTTTTCCGCTATACTCAC  
CAAACATCAGAGAGATAAAAGTGGTGAGCCACAGGAAGGTGAGGAGGGCAAGGTTGTATTATTTGAGAGAC  
AAACTTCCAAACTCTCTACTTTCAAGTGAAAACCCCCCAATTCCTTTTTTTCATCGACCGTCAACGGGTTGTA  
TCTTGCTATGATTGAAAATTCCTGTTTCTTTTTATAGACGCGGGCATTATTCTTCTGTATTTATATTATCCTCCC  
ACATTAACATTTGCTAGTCTAATTATATATCTGAGCAACAGGGTTTTGATGAAA

>trans\_c\_2502 AF117224|Mesembryanthemum crystallinum wound-induced protein WI12 (WI12) mRNA, complete cds

AACCGGCGTTTCTCTCTGGTTTCATTTCTCCCCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCGTAGTTCATCGGAAAGAAAA  
AAATAATTCTTGAGGAGTCCGAGGCTTAGGCTAAGGCAAAACTTCTGCAAGAAGTGGCTAACTCTCAAGGA  
ATTCTGGAGGAAGAAGATTCCAGTAATCAAAGGGTGGTTCTCGCCCTGTATGAAGCCTTAAGCTCTCGTAACG  
TGAACACCGTTACACCAATCCTCGCTCCTGATCTAGAGTGGTGGTTCCATGGTCCGCCGTCTACCAATTTCTG  
ATGCGCCTTCTACTGGAGCTTCATCCAACGGTCAATCTTTCAATTGTTTCTCAATCAATCACATCCTTCGGC  
TCTACCGTCTCTCGTGAAGGTTGCGATCCGAGCCGTTCAATCTCCTGGATCCACGCTTGGACTATCACGGATG  
GGATAATTACACAGCTTCGTGAATATTTCAATACCTCTCTACTGTGACTCGTGTGGAGATCCGACTGAGTAT  
CCGTCTACATCGTCTCTCGGCGTCGGAGATTTGACTGCTCCGTGCTTGCATCATTGTCCTTCTGTTTGGGAA  
AGTAGCGTTTCAAATCAGGTAGGAAAATCGGTTCCCGGACTGGTGTGGCCATTTAATTAAATCTCTGATTG  
GGTAGGGCCGAATTGTACTGTAAAAATAAAATAAATTGAGAGATGTGAGAACTGGGATTGTGCGTCTTT  
GGTTTGGTTTGGTTTGGTTTGGTTTGGTTTGGTTTGGTTTCCGGTTTTATTTAATTTGAAGGGTTTGGTTGTGTGATAGTG  
ATAGTGTGTGTGGTGGAGTAGGGTAAGCACCATGGAGATGAGATCGTATTGGTGGATTCCGATGTATTG  
TAATGTTTATAATAAGGACATGTTCCAATGTTTGGGTTAAAAATGGCATT

>trans\_c\_2503 NM\_113195|Arabidopsis thaliana ATARFC1 (ADP-ribosylation factor C1); GTP binding (ATARFC1) mRNA, complete cds

ATCTCTCCCCAAATTTTATTATTCTTTCTCAAGCTAACGAAATTTATCTCTGAATCGCGGTTAGGGTTTTCTCTT  
CTCCATCGCTTCTTCTGTAAACCTCTCCACCTTCCACTTCTTATCGGATTCCCCGCATCGATTAATTCAGGCGA  
TTTACTGGTGTCTGATACGATGGGGGCCTTCATATCGAGATTCTGGTTCATGTTATTTCCGGCTAAAGAATACA  
AGATCGTGGTTGTTGGGTTGGATAATGCTGGAAAGACGACTACTCTTACAAATTGCATTGGGTGAGGTTGT  
TACTACCCATCCAATGTGGGAAGCAATGTTGAAGAACTTGTGTACAAGAACATTCGATTTGAGGTATGGGAT  
CTTGGTGGGCAAGAGAGGCTTAGAACATCATGGGCAACGTATTACCGTGGAACATGCAGTGATTGCAGTT  
ATAGACAGTACAGATAGAGCAAGAATCACCATCATGAAAGACGAGCTTTCAGATTACTCGGTACACGAAGATC  
TTCAGCAAGCTGTGGTGCTGGTTTTTGCAAACAACAGGATCTTAAGGATGCCATGACTCCCGTTGAAATCAC  
CGATGCTCTTTACTCCACAGCATCAAGAATCACGACTGGCATATCCAAGCTTGCTCTGCCCTCACCGGGGACG  
GTCTATACGATGGTCTCGGATGGATTGCACAGCAAGTAACCGGTAAAGCACCTAGTTGATAAAGAACTCACTG  
CTTGTGAGATTCAATTCTTACTTGTAACTCTTGTGTTAACTCCTCACCTTTACACAAGTCTGAGAGCAGTTTGCA  
TCTCTGTTTAATTCCATTTTGATTTGAGAAATTGATTAAATATTTTTTAAAAAAGATGGAGCAATATCAAAA  
GAATTGGGTTGAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2504 AB079022|Nicotiana tabacum mRNA for ras-related protein RAB8-3, complete cds

CATTTTGCTAGTGTACGACGTCACGGATGAGTCATTTAACAGTAATTCTTCTCTACCTTAAACCAAAGACAT  
TAGGAATTGGATACGTAACATCGAACAACATGCTTCTGACAATGTCAACAAGATATTGGTGGGTAACAAGGCT  
GATATGGATGAAAGCAAAAGGGCTGTTCTACATCAAAAGGGCAGGCTCTCGCAGATGAGTATGGCATCAAG  
TTTTTTGAGACTAGTGAAAGACAAATTTGAATGTGGAAGAAGTTTTCTTCTCCATAGCTAAGGATATCAAGCA  
AAGGCTTTTCGGACAGTGAATCTAAGGCCGAGCCTCAAACAATCAAGATAAACCAAGCAGATAACGCAGCAGG  
GGCTTCCCAAAGTCTCAGAAGTCGGCTTGTTGTGGATCTTAAGACAGCTACACTAAGGTGGTTTATTTGCAA  
GGCAATACAATTAGGTTACTCGTGCTTCTTTTCCGTCAATTTTTTTTCACTAGTACTATAATAAGAACTCAATTTGG  
GAGTTCATAGTAAATCCTTTATCTGAAAATTAATTATACGGTTCATCTGCCCCATATTTCAATTCAAACTGAAAA  
AAAAGTTTCATATTTCAATATAAGTCCTTTTCGTAGTTGAGTTTACAACCTGAATATCCTTGATTAGTAATGAAAG  
TTGCAAGCTGAGAATACCCATCCTCTGTTCTTTTATGGACGATAACCTTTCAGTGAGTTAGAAAATGAACACA  
TACTTTTATGAAGCTTGCTAATAAATATAAACATGTTAGAATAGATAAATCCAGGAATAAAGTTACAATATCTT

TCCTATTTCCCAATATTTCTAGCTTTCTTATACACTTTTGCTTCCCACCCAACCTTCTATCATTAAACATTCCCAGTC  
CTATATCTACAAATTTCTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2505 BT009650|Arabidopsis thaliana At5g09310 mRNA, complete cds

AAAAAAGGGAGAAGGAACAGTTTAGCTTTAAGAATTCTGTTTCTCAAAGTCATTGAACTCCTCTTGCAATGG  
AGACCTCGCATAATCCAAACGCAAACACCAATTCCAATCCTAATACCATAACGTCGCCAATTCCTGTGTTATGG  
CCGACCATTGATGGCTCTCTGGGTTTGTCTGGAGGAAGAATCGGTGAGCTATGCCCGTAGGTTCTACAAATTTG  
GATTTGCATTGCTTCCATTTCTTTGGGCGGTTAATTGCTTCTACTTCTGGCCTGTTCTTCGCTCCCGCTCGTTTCC  
TCGCATCCGACCCTATATTGTTGGCTCAGCTATCGGCTTTGGTGTTCCATGGCCATTATCTCGTCTTGGGCATT  
GACATTTTCCATCGGAGGAGAACGCCTGTTTGGACCTGTTTGGGATAAACTAGTGATGTACAATCTTGCTGAC  
AAATTAGGATTAACAGGTTGGAGCTAGTCTGGTTCCTCCCTTCGGCAACCAACTTCAACCTTCTTGATATATC  
AAAATCTGTAACCTCTACTGTCAATTGTTTTCTTGAAAGATCAAAGTTGAAGCTTTTGGTTTCCCTTCTTCAAGT  
GTTCCAATTGTGAACATGAACCTTTCATTACCCATGTTGATTCTTGTTAATAGTTGATTACAAAGTTTGAATC  
GGGTCTCCCTTCAACGGCGGACTAAGATTTGTGGATAAAATTCTAAACTGGTCTCTTGAATTCTTCTTTGCTTT  
CTTTTTGTCCCACTTCAATACTATAAGCCGTGCTCTTTTCTGGTTCCTTACATNCAAACATCCATTTTGAAGG  
GTGAAAACATCTTGAAGCAAGTTAGAACTCCCTTAAAATTTCTAAGGGACAGTGTACAGTGATCAACAATCCC  
CAAAAGAAAGGTATGATTGTATACTGTAACACTTCTTGGTATGG

>trans\_c\_2506 XM\_002894157|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPREP2, mRNA

GAGGAAATCCGCCGATCCTTGCTTTCAAGGGAAAATTGCCTAGTCAACATCACTGCTGATGAAAAAATCTCA  
CAGAGTCGGAGAAGTTCGTTGGCAAATTTCTTGATTTGCTTCTAATCAACCTATCATTAAAGAACAGCACTTGG  
AATGCTCGGCTTTCTTCAGATAATGAAGCCATTGTGATACCTACTCAGGTTAATTACGTTGGAAAAGCAGCTAA  
CATATATGAAACTGGTTATCAACTTGATGGAAGTGCCTATGTTATTTCAAAGTTTATTAGTAATACTTGGCTGT  
GGGATCGTGTTAGAGTAAGTGGAGGTGCTTATGGTGGATTTTGTGATTTTGATTCTCATTGAGGAGTATTCTCC  
TTTTTATCTTATCGTGACCCAAATTTGTTAAAGACACTTGATGTTTATGATGGAACCGTTGATTTTCTACGTGAA  
TTGGAATTGGATGATGATACTCTAGCAAAAGCCATAATTGGAACCATTTGGAGATGTTGATTACATACCAGCTTC  
CTGATGCTAAAGGTTATAGTAGCTTGTTGCGGTATTTATTAGGAATTACGGAAGAAGAAAGACAAAGGAGAA  
GGGAAGAGATTTTATCTACGAGCTTGAAAGACTTCAAGAACTTTGCTGACGCACTCGAGGCAGTTAGAAACA  
AAGGAGTTGTAGTTTCAGTTGCATCTCCCGAAGATGTCGAAACTGCACACAGTGAACGCCCTGGGTTTTTCCA  
AGTGAAGAAAGCACTCTAAGATGCGACCTCCAAGCTCCCATTGTAGAACCATCCCCACTTCCAAAATCTACAA  
AGAGAAGAGAAACAAACCAGATTTCAAGTGAAGAAAGAAAAAGAAGAAGAAGAAAGAAAGGTTAGCCAGC  
ATTATTGATTCATTTTCCCATTAATACTATTATACCATGAACAAAACATTGCATTGTTTC

>trans\_c\_2507 NM\_001035768|Arabidopsis thaliana ATPQ (ATP SYNTHASE D CHAIN,  
MITOCHONDRIAL) (ATPQ) mRNA, complete cds

ATAGACGCCGATATCTGTGTTTTGAGCTCTCAACGAAGGGAAAATCAGTTGCCTTTCTCATTATTCTCTTTTTCT  
TCTTCTTTCCTTTGCTGAAATCCGAGAGACAACAGTTTAGAAAATGAGCGGCACGGTCAAGAAAGTCACCGAT  
GTTGCCTTCAAGGCATCAAAGAATATCGATTGGGATGGCATGGCCAAGCTTTTGGTCTCCGATGAAGCTCGCA  
AGGAGTTCTCATCCCTTCGCCGAGCCTTCGAGGAGGTTAACTCAGCCCTCCAGACTAAATTCAGCCAGGAACC  
AGAGCCCATAGACTGGGAATATTACAGAAAGGGAATTGGTTCCCGCTTGGTGGACATGTACAAAGAGGCTTA  
TGACAGCATTGAGATCCCCAAGTTTGTAGACACAGTGACTCCACAGTACAAGCCTAAATTTGATGCATTGCTG  
GTAGAATTGAAGGAAGCTGAAGAAAAATCCCTAAAGGAGTCTGAGCGGTTGGAGAAGGAGATTGCTGAAGT  
TCGAGAAATGAAGCAAAAGATCTGCACCATGACCGCTGATGAATACTTCGAGAAGCATCCCGAGCTGAGGAA  
GAAGTTTGACGATGAAATCCGAAATGACTACTGGGGCTATTGATTTGGAAGTAAAGGTTGAAGCCACCAAAG

TTTCAGAATTTAATTTTCATGAATCTTCCGGGACTTGTTTTGCTGCAGATGTTTTGTCAGTAATAAAACAAACCAG  
ATAGTTCCTCCGCAATTTGGTTGCATTTGCTTTCAGAATCATGGTGACGAAATTGATTAGAGAACTGAGTTTT  
TTTCCTTCAAATGATATTTTGTGAGAGTTCCAAATAACTCTCAAGGTACATTATCATGGAGAATACATTTCTTTT  
TATAATAAGATTATATTGGCTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2508 AF283566|Medicago truncatula sucrose-phosphatase (SPP1) mRNA, complete cds

ATTGACTGTTGATTGTTGATTTCATACGATCCATTGGCGCTTCAATTCAAATCCCAAATATCACTCTCCCGATAC  
TCATCATTTTCCAATGGATCCACTGGATTCTTCTCCGAAGCTCATGATAGTTTCCGATCTCGATCAAACGATGGT  
CGATCACGATGATAAGCACACACCTCGCTTCTCAAGTTCAATGCCTTATGGGAAGCCTATTACCGTCGGGATT  
CTCTTCTCGTATTCTCAACCGGAAGATCGTCGACGAGTTATAGAAAATTAAGAGAGGAGAGACCTCTGTTGAC  
TCCCGATTTAACGGTAACGTCCGTTGGAACGGTGATTGAAGATGGTGATTGATGGTTGAAGATGAAGAATG  
GGAACAATTTCTGAATCAAACTGGAATCGAGATATTGTGGTTGAGGAAACCCTAAAATTTCCGGAACCTACG  
CAGCTGCAGTCAGAAACGGAGCAAGGAGCTCATAAGGTCAGCTTCTTCATAGAGAAGGATAAAGCCCCACGA  
GTCATCGATCTTCTTTTCAATGTTTAGAGAAACGAGGGTTGGATGTAAAATAGTCTACAGCAGTGGAATCG  
CGTTGGACGTATTGCCAAAACATGCTGGAAAAGCTGGGGCCCTTCAATATCTTCTCAACAAGTTAAAATCTAAT  
GGGAAAGCTCCACCAATGTTCTTGTGTTGTGGTGACTCTGGAAACGACACCGAGCTCTTCAGCATCCCTGACG  
TCTATGGTGTGATGGTTAGCAATGCAGGGGAAGATCTACTGAATGGTATATGGAGAATGGAAAGGGCAACC  
CCAAAGTTATGCATGCTAGTGAGAGATGTGCAGGTGGGATCATAGAGGCTATTGGCAGCTTCGAACCTGGTC  
CTAATTTGTCCCAAGAGACATTANGTGCTGTAAAGTCGAGACTATCGATCCTTGTT

>trans\_c\_2509 XM\_002328874|Populus trichocarpa serine hydroxymethyltransferase 6 (SHMT6), mRNA

CTTCTATAGGAAGGGTCCAAAGCCACCTAAGAAGGGTCAGCCCGAAGATGCTGTTTATGACTATGAAGACAA  
GATCAACTTCTCTGTCTTCCCGGCCCTTCAGGGTGGCCCTCACAATCACCAAATTGGTGCTTTAGCTGTTGCCTT  
GAAGCAGGCTATGTCCCCTGGGTTCAAGGCCTATGCTAAACAAGTTAAGGCCAATGCCGTGGCCCTCGGAAA  
TTACCTGATGAACAAGGGTTACAAGCTTGTTACTGGAGGAACCGAGAACCACCTTGTTCTCTGGGATCTTCGT  
CCTTTGGGATTGACTGGCAACAAGGTTGAGAAGCTCTGCGACTTGTCACATCACCGTAAACAAAAACGCA  
GTGTTTGGTGACAGCAGTGCATTGGCTCCCGGAGGTGTCAGAATCGGTGCACCTGCCATGACTTCAAGAGGT  
TTGGTAGAGAAAGACTTCGAACAGATCGCAGAGTTCCTGCACCGTGCTGTAACCATCACCTTGAACATCCAGA  
AGGAATATGGAAAGCTGTTGAAGGACTTCAACAAGGGTCTTGTAACAACAAGGAAATCGAAGAGCTCAAG  
GCTGATGTCGAGAAATTTCCGGCTCTTCGACATGCCAGGCTTCCTCATGTGCGAGATGAAGTACAAGGACT  
AGAAAAAGGCTAGACAACACAAGATCATCCGGAAGCTAATAAAGTTTTGGGTGTTTGTGAATCTTTTATGA  
TCTTTCACCTCTAAAGTTAAGAAAACGTAAAAAGAAAAGTTGTTGTTTGCTTGCTTTCCCTTTCTTTTCTTTT  
TTTATCTTTTTTCTCGTTCATTTTTTTTCTTTTGCTATCTGTAAGATGTAGGCTAGATTTTCATTCTCATAATATT  
CATTCTAAAGTTTCATGCTCGCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2510 L36823|Stylosanthes humilis cinnamyl alcohol dehydrogenase (CAD1) mRNA, complete cds

AAAGGATTTTCCGTAAGATCCCAATTCCGCCACCATTTTCGACCTCATCTCCCAAAATTATCCGATCCGCCTCC  
GCCTCCACCTCCAACCTCACCTACACCGCCGTTGCTTCTCGGCCTAACTTTTTTCATCATGTTACGGATCAGATGA  
TTTCTGGTTTATCCATTTGACTCGACGATTTCAAGTCTTAATGTTTTAAATCTTTGTGTTTTGATTGATTCCAACA  
TTTTCAATTTCTTTTCAAAGTTTTCTTCAAGCTCTTGGCTCGCAAATCTGAGGTTTTGTAGACCCTACGAAAATT  
AGGGTTACGAAGAGCATTTCAATATGCCTTCGGAACCTATTGATCTCTACCTTCGCCCTTGCTTCCTTCTTTGA  
CTTCTTTTCATGGTGGTTCCTCTTCGCATCGTCTGAAGCGGCTCGAAAAGGGTGATCGGCGTGGTAATCTTAGT



TAACATAGGGTCTTTTAGTGCAATTCGTGCTCTATTCGTATTCTTCAATCTTCTCTTCTCCTCCTTGCTCTTT  
GGTCCTATTCGAGGTTTGGAATTCCTAGAGAAATTATAATTTACGGTAAGGGTTTATTGTTTTGATCTTGAGG  
TTTAGCGGCAATCGAAGTCCCTGAAAGCGAGTCACTGGCAATTGGCTACTCGTTGAGAGGGTTTTTGCAATCT  
TGATTATTGTGCGAGGTTCTAGCAGATTTCTGTGTCTTACATAAATCTGAATGGACATTCCTCGATTCATCAG  
AAGTTGGCTGTCGGTGTAGACGGTCTGGTGGATGATCTGCAGTCGTCTTGAAAGAATTGATGCTGCATTGTT  
TAATGATCTTGATGGGTTTTTAAGAAGTCTTGAGCATTGAAGATACTCAAAGTCAGAATTTAAACGTGGAT  
GTGATTGCAGCGATAATTCAAATGATAGAAACAAACAA

>trans\_c\_2511 NM\_119307|Arabidopsis thaliana SRZ-22; protein binding (SRZ-22) mRNA, complete cds

AAAAATATCTTAACCTTGAAGAGAGAATCACGTTGAGCTGCTAGGGTTTTCTCCGGTTTGTTGTAAAGCAATGTC  
TCGTGTATATGTTGGGAATTTGGATCCGAGGGTCTCTGAGCGCGAGCTTGAAGATGAATTTCTGTATTTGGA  
GTTATTCAAAGTGTATGGGTTGCACGAAGACCGCCAGGCTATGCCTTCACAGATTTTGACGACCCCAGAGATG  
CACGGGATGCGATTCATGAATTAGATGGGAAGAATGGCTGGAGAGTTGAACTTTCCACAATTCTAGAGGTG  
GTGGAGGTGGCCGTGGAGGAGGGGGTCTGGTCTGTTCCGGTGGTCTGATTTGAAATGCTATGAGTGTGGT  
GAGCCTGGGCATTTTGCTCGTGAGTGCCGTTTACGTGGCGGCGCGGTGGCGGTGGTCTGGAAGAAGACG  
TAGCCGCAGTCTCGATACCGCCGAGTCCAAGTTATGGTCGCAGGAGTTACAGTCCCCGTGGAAGATCTCCA  
AGACGTCGCAGCTTGTCACCTCGTGGGCGTAGCTTTAGTAGATCACCTCCATACCGTGGTAGAGAGGAGCTAC  
CTTATGCCAACGGAATGGCATAAAGGACCGGCGCCGAGCAGGAGCTGAAGACGACCAACTTCTCAACTTG  
CCTTAGTTAACACATGATGTTTAGAGGATTACTCCGAGTCTATATGTTTTAGTGCTTGACTTCGTATGGGAC  
CTTTTTAAATCGGGCGACGCCCTCAGCCTCTACTTTTGAGTTTGGATAAGTCCTTCTATCTTCTGTTTGAATT  
GTTTTCTTTAGTTGATCAGTATAGTTGTAGGATACTAAAATATCATTAGTTCATATTTATTTGATAATGTTAT  
TAAGCAATGTCTTGAGGGGCACTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2512 AB243987|Nicotiana benthamiana MAPKK mRNA for mitogen-activated protein kinase kinase, complete cds

CTCGGCCACGGCAACGGCGGCACCGTCTACAAAGTCCGTCACAAACGCACCTCCACTACTTACGCTCTCAAGG  
TCGTCCACGGCGACTGCGATCCCACCGTTCGTGCGCAAGTTTTAGAGAGATGGAGATTCTTCGTGCGACCGA  
TTCTCCTTATGTCGTTCAAGTGTATGGAATCTTCGAGAAACCTTCTGGAGATGTAACGATTTTGATGGAGTATA  
TGGATCTTGGATCTCTTGATTGTTATTGAAGAAGAACTCGACTTTGTCTGAAACGACGCTTGCTCATGTATCG  
CGTCAGGTTCTTAATGGTCTTCATTATCTTCACTCTCATAAAATCATTATCGTGATATTAAACCGTCGAATCTG  
TTGGTGAATAAGAATATGGAGGTTAAGATTGCCGATTTTGGAGTTAGTAAATTATGTGCAGGACTTTGGATG  
CTTGCAATTCTTACGTCGGAACCTTGCTTATATGAGTCCAGAGCGGTTGATCCAGAGACTTACGGCGGAAA  
TTACAATGGTTATGCCGGAGATATTTGGAGTTTGGGGCTTACTCTTAGAACTTTATTTAGGTCAATTTCCATT  
TCTTCCGGCTGGACAGAGACCGGATTGGGCAACTCTGATGTGTGCGATTTGCTTCGGTGAACCAACGAAGCTA  
CCGGAGGATGCGTCGGAGGAGTTTCGGAGCTTTGTTGAGTGTTGTTGCAGAAGGAATCGAGTAAAGATGG  
ACGGCGGCGCAATTGTTGACGCATCCGTTTGTATGCAGGGAATCATCGAGATCATCGTCGGATAATCGATGAA  
TCCACGCGGTGAAATTGTAAGGATCCGAATGAATGTCAGTTTAAAAAGATCAAGCCAAATTGTGAGATCTGTA  
CATAAATTGCGGAATTCGGATGAACTTTTTCTTTTTGTATATATTCCTCTC

>trans\_c\_2513 NM\_180673|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein (AT3G16760) mRNA, complete cds

AAGCTTGAAAGCACCAGAGAGAGCTCAGATTCACGAGAGTCTCTTTGGAGCAACCTGCTTTGCGCTGCCGTC  
CTCGGATCTTCATCCTCCTCTCCTCTTCTGGTTAGGTACGTTTTTTGAAAAAGGGTAGATCCCTTTTTAATTTT

TTTGTGGATTCTTTACCTGGGGATTTCATTCAATTCAACAAGCCATGAATTCTAATTTGCGGAAGAATTTTGA  
GTTTGATCTGGGGCTCGGATCTTCTCGCTCCAAATCACTCAACGATCAGAAAAACAAAACCAATCCTATTCAT  
CCTACACTTCCTCTGCTTCCTCCTACTCTTCCACCCCCACCAGGCCGGCCTGGCAGCCTAACAAGCCCTCATGGA  
CGCATCAGCCCGCGATGAATCAGGCTGCTCGTCCTAATTGTCTAATCCCCGCTTCCATGGTTGGTGATATA  
TTTGGGAAGACCTGGGGTTCCACGGCGACTTCCGGTTCCACGGCGGGTATTGGAATTGTTGAAAAGAATCCG  
AATCTGTTGCGCGATTGGTTCGGTTCTGCCTGGGATCGGGTAAGAGCAATTCGAATACTCCATTGAAGAATG  
TGGGTCCGGCTTCGGTGTCTCCGGTGCCGATTGAATAGAAATTCGTTTTCGATGGGAAATATGAACGATTC  
CTTGCTAAATCCAGTAGTAATCCGAGTAAAAATAGTGGAATTTGGAGTTTGATAATCTTAGCAATTACAATA  
ACGGGAAAAGTAATCAGAGTAATACCACCAATATCAAGACTCCCAATCTCGGAGGTCCAAGCATGAGTTCAAC  
CATCGGCGGTGGTAAGACGAGCTCTACCAAAGATCCCTTTGGTTCTTTAGTTGACTTTGGATCTAAATCATCTG  
GGAATCTGAATTCAACCACTAAGAATCAAAATATCAAATCAAGCGAGGA

>trans\_c\_2514 DQ973810|Glycine max PHD5 mRNA, complete cds

CTCTTTCTCGAACTCATCGCATTGAAAAACCAACAAACCTAAAAAGTGTCGGTTCAATTTTCTTCTTGCTTCAA  
CTACTCCTCACATAGCTCAATTCCATCTCTTCTCTCCACAAATTTTGCACTTTTATTATTCAAATTCATACTGAA  
ATCCCTAATTCTCTCACTGCGCGGCTCTTTTACCGATATTATGGAGGGAATGCCGCACCAATACCCCGTACA  
GTCGAGGAGGTCTACGGCGACTTCAAAGGCAGGCGTGCCGGCTTGATCAAAGCCCTTACCACTGATGTCGAG  
AAGTTTTACCAGCAGTGCATCCTGAGAAGGAGAACTTGTGTCTCTATGGACTTCCAAATGAAACGTGGGAA  
GTTAACTTGCCTGTGGAGGAGGTGCCTCCTGAGCTCCCGGAACCAGCATTAGGGATAAACTTTGCAAGGGAT  
GGGATGCAGGAGAAAGACTGGTTATCACTGGTTGCAGTTCACAGTGACTCATGGTTGCTTGCTGTTGCATTCT  
ATTTTGGTGCTCGTTTTGGATTTGGGAAGACTGAAAGGAAGAGGCTATTCCAGATGATCAACGATCTCCCAAG  
TGTATTTGAAGTTGTGACTGGAAATGGTAAGCAGTCGAAAGAACAATCTGCCACTCATAACAATGGCAGTAAA  
AGCAAGTCGAGTGGAAGATGTCCCGGCAGTTGGAGTCCCATAGCAAGGGAGTGAAGATGTCTCCACCACCA  
AAAGAGGATGAAGATAGCGGGGACGAGGAGGAGGAAGAAGAAGATGATGAACAGGGTGCAACATGTGGG  
GCTTGTGGGGACAACACTACGGCAACGACGAATTCTGGATTTGTTGTGATGTGTGTGAAAAATGGTCCCATGGA  
AATGTGTGAAAGATACACCTGCAAAGGCGGAGCATATCAAGCAATACAAGTGCCAAGTTGC

>trans\_c\_2515 XM\_002889363|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata Os01g0254000, mRNA

TTTCCAGATTCATTTTCTTTTTATTTGTATTATTCTAAATCTCCAGAACTGCTTAGCTGCTCTGGTTTTTGGGGAT  
TTTAGGGGGCTCGATCTGGTGGGTTTACGGTTAAATTTTGAGCTTTTCGAGGTCCTTTTCGGCTTCCATTTTGT  
CGGAAGTTACAAAATGTTTTTGGTTCGATTGGTTCTATGGAGTTCTTGATCTCTTGGGTTGTGGCAAAAGGAG  
GCCAAGATCCTTTTCTTAGGGCTTGACAATACTGGCAAACACCTTGCTTCATATGTTGAAAGACGAGAGATT  
AGTTCAACATCAGCCGACCCAGCATCCAATTCGGAAGAGTTGAGTATTGGTAAGATCAAGTTCAAGGCCTTT  
GACCTAGGAGGGCATCAGATTGCTCGACGAGTTTGGAAAGATTACTATGCTAAGGTGGATGCAGTAGTTTAT  
CTGGTTGACGCATATGACAAGGAAAGATTTACAGAGTCAAAAAAAGAGTTGGACGCTCTCCTCTCTGATGAA  
GCATTAGCGGACGTTCCATTTCTGATTCTGGGCAATAAGATTGATATTCCATATGCTGCATCAGAAGACGAGTT  
ACGGTACAACCTGGGCCTAACAACTTCACCACTGGTAAAGGCAAGGTAAACCTGGGAGACTCCAACGTTTCG  
TCCTCTGGAGGTTTTTCATGTGTAGCATTGTGAGGAAAATGGGTTATGGGGATGGTTTCAAATGGCTTTCTCAG  
TACATTAAATAGATTTTATTTTCTTTGTGCTGAGAAACAAATATTTGTTACCCCTTTACCTGTCATTCTGTTGGT  
ATGAATCTATGAGGGTAAGATCTGTTTTTTACCTTTTTTCATTTCCAAATGAACTCCACACAAAATTTGATTTAT  
AATGCTGTAGTGAAGTACTACTCTATTCTGCGAAAAA

>trans\_c\_2516 BT010893|Arabidopsis thaliana At3g60150 mRNA, complete cds

AAACAAGAAAACATAAAGAGAAAAAGGGATTTGGGGGCGAAACTCCGGGACGGAGACACGGCGCCTGAGA  
AAAATGGCGGCAAGGCAGAAAGCGGTGGCGACGCTGCCTAGTCTGATTAGAACCCTTAAAAACGATCGCCG  
GAAGCCTGGTTTCAGCCAGCCTCTGCCGTCGTTGAGACGCGCATTTTCACTTTACGATCAGATCAATCTCATCG  
ACAATGTCCCTAAAGATCAGCTTCGTTTTCAACGGTATACTGAGACGGGGTTCCTGTGAATGGAGTGGATTA  
TGAGGGCAGCTTGCTTTCGCTTGGGAACCTTGTTGATGTCTTGGAGTCCTAAGAAATTTTCGGAAATTACGCCT  
GACAGCTTATCTATCTTCCAGATTGTGCGCCCTATTCCAGAAATTCTAGTACTTGGCTGTGGGAGATATACTGA  
ACCAGTAAATCCTGAATTGAGGCAGTTCATTCGTTCCACTGGCATGAAGTTGGAAGCTGTAGACACGAGAAAT  
GCAGCATCAACATATAATATCCTAAATGAGGAAGGTAGAATTGTGGCTGCAGCACTTCTGCCTTATGGAGTTT  
CTTCATGACCCACCGCCCAGAGCCAGACTCAGTCATTGTTATGGATGCCTCTACAATTGCAGGATTCTTCTATCT  
CTCAAATCTTACAAGTATTACTCAGCCCTTTGATCTCTACTCATTTGTAGACTGACTACAAGTCACTTGGTCCTTT  
TTGCTGTATAGATATACTGTTGTTGTCATAACCTGCCATCAAGAATTTTGGCAATAAGTTTTTGGCAGTTTATAT  
ACATTCAAGAAAAATTAAGTTCACACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAGGATTTTGGTAGGGCTAAATCACTTTCAATAGCCATC

>trans\_c\_2517 HM245320|Solanum lycopersicum mitogen-activated protein kinase 9 (MPK9)  
mRNA, complete cds

GCTGCGCGCTGAGCTTGTAAATGCCTCAGGAGGAAGCTGAAACTTCAAACCGAATCTGCTTCCCATCGCATG  
GGGATCAATTTTGTGTTTGAACCCCATAGAAAATCATTTTGAGTTCTCGTTGACTGCGACCCATTTCGAAACC  
CCATCTAGTTACCAAGAAATTTCCACTCCCACACTCTCAATTCATCTCGATTCCATCCTTTTCAGCTTCCTATTCTGA  
GCTGGGGTTCTGTTAATTAAGGGTTTTCTTCTTTTCCACCTGGGGTTTCTCTGTTCTTCTGATTCACTTTC  
TTCAAGGTTTTGGAGGCTAATTTTGAGCTGGGGCAATTTGTTTCATGTCTGGAGTTTGTGTGGTTGGGGATAT  
GAGAAAGCGATGTAGCAGGGAAGTGGAGACGAGGACTTGAAGTGAATTTTCTGAAATTTGCTCGTTTAAAG  
AACAAGTGGTGATTGGAAATGGCGACCCCTGTTGAGCCTCAAATGGGGTTAGATCTCAAGGAAAACATTAC  
TATTCAATGTGGCAGACATTGTTTGAGATTGATACTAAATATATACCTATCAAGCCTATTGGTCGAGGGGCATA  
CGGTATTGTGTGTTCTTCTGTGAATAGGGAAACAAATGAGAAAGTTGCGATAAAGAGAATACATAATGCTTTT  
GAGAATCGTATCGATGCTCTCCGGACTTTGCGCGAGCTGAAGTCTCTTAGGCATCTTCGCCACGAAAATGTCA  
TATGTTTGAAAGATGTGATGATGCCTATCCATAGGAGAAGTTTCAAAGATGTCTATTTGGTTTATGAACTGATG  
GATACTGATCTGCATCAGATTATTAAGTCTTCTCAAACCTTACGAATGACCAACGCCAATATTTCTCTTTTCAG  
TTGCTCCGATGCTTGGAGTATCTGCATTCTGCAAAATATCTACATCGGG

>trans\_c\_2518 BT000345|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g47420) mRNA, complete cds

GAGGGTCATTTGAAACAGCCTACGCCCTCTGGGTTAGCTTTCAATTTTGCAGTTTCAAGGTAAAAGGGGAAAG  
TCATGGAGAAAACGTGATTCTTAGATCACTATTGCGTTCTGTTTCGCGCCAGATCTTATGGCATCGCCGGAGTC  
ACTACCGGAATTTACTCCAAAGTAATCATCAGGTTGCACGAAGCGTCTTCTATCTCTCGTCCCATCGTTCTTCT  
TTCTCAGATTCTCCACAGAGAGTTTCTTACGATTGTAGCTATCCATCTGGTGTAGGGCACGCTAGATATTTTAG  
TGCTGATGTAGTTAGTATGCCCCGAATTCAAGATCCCAAGCTTAATATCGTTTTCAAGGATTTGATGGCTGCAA  
GTTGGGATAAGCTTCTGAGCCGTTATCTATGAAGCAAAGACCGCATTATCTGGAAGCACTGATGATAAAGC  
TGGAAGAAAGAAATTGTGGAAGAAATGTTTTCCGAGCAGCTGTAGCCGCTGAGGAGTTTGGGGATATACTTATCAA  
CTTGAAATGGAAGTTGATGATAGCATTGGTCTTAGTGGCGAGAATGTGAAGCCTTTGTCCGATGAGCTTAAG  
AAGGCATTACATACAGTTCATGATCGCTATATAGCCTACTTGGATTCAATTTGGTCCTGAGGAAAACCTATCTGCG  
GAAGAAAGTGGAAACAGAGTTAGGAACAAAGATGATATACTTGAAATGAGATGCAGTGGCCTTGGATCTG  
AGTGGGGAAAGGTTTCTGTGCTGGGAACCTCTGGTCTATCGGGGTCATATGTTGAGCAAAGAGCATAAATTT  
GGCACCTTTGAATGTTTGGCCGTAAGTGAAGCTTCTTTAGTTTGGTTGTATGTTCTCAATGTTTTATTGTCT  
ACTCTCAGAACCAATTAACGTGGAGTTCAATTGCAATTGAATAAGATCTTACATC

>trans\_c\_2519 XM\_002881641|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisomal membrane protein, mRNA

ATGCAGACACATAAAAAAAGTCTCAAAGCCGTCTCTACCTGGTCGAGCACTGACTCCACTAGATGAAACAATT  
CCGCCGACAGCAGTTGTTGATCCTCCTTCTACGGAACCACTCATGCTATTCAAGAACTTTATGATGAAGCGGG  
AATCAAGGGTTTCTGGAAAGGGGTAATCCCAACAATGATCATGGTCAGCAACCCTTCTATACAATACATGCTG  
TATGAAACTTTGTTGAACAAGTTGAAAAACGACGTGCTTTACGGAAGGATGGGAGTGGAGTTACTGCATTG  
GAGATATTTTTTCTTGGTGCGGTTGCAAACTTGGAGCAACGGTAGTAACCTATCCTCTTTAGTTGTGAAGGC  
TAGGCTTCAAGCAAAACAAGCCGTAGCAGGAGACAAAAGACATCAGTATAAAGGCACATTGGACGCCATTCT  
CAAAATGATCCGATACGAAGGACTGTATGGATTTTACAAAGGGATGGGCACGAAAATCGTCCAGAGTGTTCT  
GGCTGCTGCTGTCTTGTTCATGGTTAAGGAAGAACTCGTCCGAAGTGCTCGATTCTCTACCAAGGGTCCC  
GTTGGCAGAATAAAATCAAAGCCTCAATGATCTGATAAAATGCTTATATGACCCCATACAGTTTCTTAAGAA  
GTTATCCTAGCCAGAAATTTATGTTATTCATCCTAGTGAGTATTCTTGACCAAACCTTATTTGAAATTATTAG  
GAAAATTTGTGTCCAACAAAAGAAATAAGATTAAGATTTGGGCTGGAAATTGTTGTTTGAATATAACAATAT  
GCTATAGCAGAAATATTGGATTCATAGTTATAAATTGGAGTGGCCTATTTTTTAGGTCAATTATACCATTTAGA  
GATTATTATATAGTCACAACCATATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2520 AY107278|Zea mays PCO146711 mRNA sequence

AAAAGACTAGAAGCTTCTGTCTCTTCTTCCATTCTCGCAGAGTCGCTGATAGGGTTTTTTTTGTTGGGTCTG  
CCATTGTTGCTTCTTCTTTGAGCTCTTACACAGCTATGCCTCGGTATTATTGTGACTATTGCGATACGTATCTGA  
CCCATGATTCTCCATCTGTGAGGAAGCAGCATAATGCAGGCTACAAACATAAGGCAAACGTGCGATCATACTA  
TCAGCAGTTCGAGGAGCAACAAACCCAAAGTTTAATTGACCAGAGGATCAAAGAGCATCTTGGTCAAGCCGC  
AGCATTCCAGCAGGTTGGTGCAGCTTTTAATCAACATTTACTCGGCCAAAGACCTCGTCTTCTGTACTACCTA  
CTCCTGTAATACCAGGAGCTGCTCCGGGGTTAATGCCTGGAATTAGGCCTCCAGTTTTGCCAAGACCAATTCCT  
GGTGCTCCAGGGTATCTACCAACTCCCACAATGCCACCTATGATGGCCCCGCTGGAGCTCCCATCCCTGGCCA  
AGTGAATATTCTTCCAGGCCGCCTCCTCCAGCGCCAATTCCAGGGAGTGCACCTCAACCTTCTCAACCAATG  
GCGCACCATTGGCTGCACCATCGACATACCAAGCAAACCCAGCCGCACCAGGAAGTGGAGGGTATGATAGTT  
TCACCTCCATGGCTCAACCTTCTCTGAGTCTAACCATTAGAGCTTCTACTTGTGCTGTTTATGTATGATATCCA  
AAGCTCTTTTAATGCAAATTGGGACCAACATTTTTTAAAAATCTGAAGCAAAATTTGGAGCCTTTGAAATTA  
TGTAAGAAAAGTTCTTTCTAAGTGAGCAAAGGAAATAATTTTTTGTGGTTGATTCCTTGCTACTTGGTTGGAGGT  
AGAATACGTAGTGCTTATATGGCCAAATGGGTGATTCTGAATCCGTAA

>trans\_c\_2521 NM\_001067143|Oryza sativa Japonica Group Os07g0673500 (Os07g0673500)  
mRNA, complete cds

TATGATGACATGAAATATGCTATTAGAAAACCTTGATGATTCTGAATTTCGGAATGCCTTTTCTCGAGCATATGT  
ACGGGTGAAGGAATATGACTCTAGACACAGCTACTCCAGGAGTCCATCTCTTGATTCTAGACAAAGTGATTAT  
TCTAGAAGTCCCAGTCGTAGTCCATATAGGGGAAGAGGCCGAAGCCAGAGCCGAAGCAGAAAGTCGAAGCCG  
TAGCCGTAGTTATAGCGACAGGAGCACTAGTCTATCTCCAAGGCACAAGCACTCTCGTCGGTCACGTTCAATTT  
CTGAACAATCCCTTTCAAGATATGGGCTTTTGCGAATAGTTGGGACTTCATGTTAGGGACTTGAGGGATGTG  
GTGCTCAATGAGCTTCTTTCAACTCTTTGGTTGTTGAGGTCTAGGTCAAGGTCGAGATCAAGATCACGGTCAC  
GATCACCAGTTTCATGCCGTCATCGTGCAAGCAGACCTCGGAGTCGGAGCAGATCTCGGTCCAAGTCCAGATC  
CCTTTCACCGAATGTGAGATCTGATCGAAGCCGAAGCCGAAGCCAATCTGTTGATTCCAGGGACCAATATTCA  
GAATAGGACATTTGTTGTGAGGCTGCTCTCAGACGGAACAGTAAAGCATAGGAGAGAAGTAGGGAATGAT  
ATATTTGGAGGGTTGACTTTTAGTGTATAATGTGTTATGAATGACCTGTATTAACCAAGCCATGTTGCTGCAT  
TGTATGTCGACACATGCTTCGGTTATTTCACTTTAACGTTCTCTGTTTTTCCACCTTCGAGTATATTTGGTAAC

TTACAACTTCTCTGATGACTAGTTTTTGTTCATGTATTTTTCTTTTAAGCAGTTATCAAAGTCATTACATTATC  
AAATATAAATTAGTCTCATTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2522 AY842302|Thellungiella halophila zeaxanthin epoxidase (ZEP) mRNA, complete cds

GTTGCTGTAATTCATGGAATGGCAAGAATGGCTGCATTAATGGCTTCCACTTATAAAGCTTATTTGGGAGTTG  
GACTCGGCCCACTTTTCATTTTTGACACAGTTTCAGAATACCACATCCAGGGACATTTGGTGGAAAGTTTTTTATT  
GATCTGGCAATGCCCTTGATGCTCAATTGGGTCCTTGGCGGTAACAGTTCAAATTAGAAGGGAGGCCACCA  
GCTTGTAAGTCTCTCGACAAAGCAAATGATCAGTTGCGAAAATGGTTTGAAGACGATGATGCCCTAGAGCGA  
GCTATTAATGGAGATTGGTTTTTATTACCACAAGGAGGCAAAGCTAGCGTTTCACAGCCTATTTGCCTACGCAG  
AGACGAGAACCAACCCTGTTTGATTGGAAGTGTGGAGCAAGAAGTAGATTACAGGGTTATCGGTCGCTATACC  
GTTGCCTCAGGTTTCAGAAAAGCATGCCCCGTATTAATTACAAAGATGGGGCCTTCTTCTTGACTGATCTGAGAA  
GTGAACATGGCACTTGGCTATCCGATCACGAAGGACGACGGTACCGTGTACCCCCGAATTTCCCGTACGCTT  
CCATCAGTCTGACTTAATTGAGTTTGGTTCTGATAAGAAGGCAATATTTCTGTGAAGGTAATAAGATCTTCAG  
TTGAAAATGATAGAGAAAAAGTAGAGATGAAGTCAAGAAACAAGATCTTTCCATTACCGAGTTATT  
CTTAGTTCTAGAGATATGTACAGATCATTGAAGGCAGTGGAGAATTCTAAATCTGCTGATTTTGAATGCAACA  
GATTGATTTGTATTGTCACTCAGTTTTTGAAGTGTAAAGATGCATGGAAGTCCACACTCTGTAGTGATTCTTAA  
AATACCAAAGTTTTAGTATACACCAAAGTTTTAGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2523 NM\_123136|Arabidopsis thaliana TCH2 (TOUCH 2); calcium ion binding (TCH2)  
mRNA, complete cds

AAAGAAAAAGAAAAGGATATCTCTCTATTCAAATTTCAAATCCCCTTCACATAATCACAATCAATCCCATGG  
CCAATAACAACCCCTCCCTTTCTATTTCAACTCCTGGATCTTCCTCCTTAGGCTCCATGGACGAAGTCATCAGAG  
TCTTCAACAAATTCGACAAGAACGGCGACGGCAAGATTTCCGTCTCAGAACTCGGCGCTGCTCTCGGTGAAGT  
CAGCGGCAACATCTCCACCGGCGAGATCCACCGCATTATGTCCGAGATCGACAAGGACGGTGACGGTTTTATC  
GACCTCGACGAGTTACCGACTTCACCTCCTTCCACTGGTGGTAACAAAGATCTGCAGGACGCTTTCGATCT  
CTACGATATTGATAAGAACGGCTTAATCTCTGCCAAGGAGTTGCACTCTGTTCTCAAACGCCTTGGTGAAGAAAT  
GTAGCCTCAAAGATTGTTGCCGGATGATCAGTTCTGTTGATGTTGACGGTGATGGACATGTAAATTTGAGGA  
ATTCAAGAAGATGATGACGAGATCTTAGTCTTCTCGCCAGTAGAGAGGTAGTTTCACAAATTTAATCAAATTT  
AGGCTTAGAATTTCAAACCAAATCGAGTGTTATCAGTTGATTCTTAGTGTGTACAGTCTATGAATCTATCGT  
TTCTTTACGGTTTGTAAACGATTTAGGGCACTAAAGCGTCTCTACAATGAATTTCTCTTTGATTGTAGATCTT  
AATCGGAGATCCGGAAGAAAAAAGAAAAACAAAGAGATTATAAGTTCATATCATCTCTCTCTATTTGA  
TTCTGATTTTCTCTTTCTGAAACGGATGGAAGAATCCGAAAGTGAGGGAGTAAATATTGTGGGCTGAATTTG  
TGGAACATTTGATTGGGTGATATAGTTATTGAAGCAATATTTGCATCGG

>trans\_c\_2524 Z14991|A.thaliana UBC10 mRNA for ubiquitin conjugating enzyme homolog

AATTTTACATTTATTTATTTTATTTTATTTTAAAACTTTGCAATTCTTCTCTCTTCCCTCACGAGCCCTCATTACTG  
TGAGGGATTTTCTCCATCCTTGCTCATCAGGTTTTTTTTCTCATGGCGTCCAAGCGGATCTTGAAGGAACTCA  
AGGATCTGCAGAGGGATCCTCCTACGTCTTGCAAGTCTGGTCTGTAGCTGAAGACATGTTTCACTGGCAAGC  
AACCATAATGGGACCACCAGACAGTCCCTATGCTGGTGGTGTCTTCTTGTACCATTCACTTCCCTCCAGACT  
ACCCATTTAAGCCTCCCAAGGTAGCGTTCAGAACAAGGTATTCCACCCAAATATAAACAGCAATGGAAGCAT  
TTGCCTGGACATATTGAAAGAGCAATGGAGCCCTGCCCTAACCATTTCTAAGGTGTTGCTTTCAATCTGTTCTT  
TGTTAACGGATCCTAATCCTGACGATCCATTGGTGGCGGAGATTGCTCACATGTACAAGACAGACAGGAACAA  
GTATGAAACTACCGCAAGGAGCTGGACCCAGAAGTACGCCATGGGGTAAATGGTATCCCAAATCTTTAGCTT  
GTAAGTTGAGAGTCTATTGTGATTTTAAATATATGTCTCTGGCAATTTGTATGCAATTTAATTCTGTTTCAAT

CCCCGCTGAAAAAGAAATGCACCAAATAGTCGGTGGTGCAACAATAGCTTTGTGAAAGAAGGTAAAAGCATG  
TTTTCCCTTGTGTTCTCCATGGATAATGCGAGCTCTGTCTAGGGTTTTGTATGGAATGTAATCGTGCTGAA  
TTCCTTGGACATCTCTTACTTGAGTTCCTCTGCAGCAATGATAATTGGCTATGTTCCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2525 NM\_100924|Arabidopsis thaliana ATPISCA (chloroplast-localized IscA-like protein);  
structural molecule (ATPISCA) mRNA, complete cds

AACATTTTCGACTAGTCAAAGACGGCGGTACGCATATTCCTGGTCGCCGTTACAGTTCGCCGGAATATCG  
CGGCAGCACAAACGGGTTTCTCCGATGGCGTTCTCTTCGATTACCATGAAATTCCTCCCCGTCCTTCACTTGCG  
AGCCCTTCTAAAGTTCTGCACCTCAAAGTTCAATTTCTTTCTGTTTTCTCCTACGAAATTCAGCCGGAGTAA  
ATCCTTATCGATTGATCGGTTTCAGTCCCAGCTGCGCCAGCATCCGAGAGTATAGCACCTGCTATCTCATTAA  
CCGATAATGCATTGAAACACTTGAATAAAATGAGATCTGAACGTGATGAAGATTTGTGCTTAAGAATTGGTGT  
CAGACAGGGTGGATGCTCTGGTATGTCCTACCCATGGAGTTTGAGAACAGGGCAAATGCTAGACCTGACGA  
CTCGATTATAGAATATAATGGTTTTGTGATAGTATGTGATCCCAAGAGCCTACTTTTCTGTTTGAATGCAATT  
GGACTACAGCGACGCACTTATTGGTGGGGGATTTCTTTCAAGAACCCAAATGCTACACAACTTGTGGTTGT  
GGAAAATCATTTAATGCAGAAATGTAGGATCATATTTGTTTATATGAATGATTCAACAGAACTTGATAGTTT  
CAGGTAAAGAAAACATAGAATGTATAAAAACTCTAGTTTGCTTGACAATTGATCCTAATAGTATACCTTCTA  
TTACTAGTTCTCTGTTGGGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2526 HM122566|Malus x domestica HD domain class transcription factor (HD23) mRNA,  
complete cds

ACCCATTTACAAAATAATTCTTCTTCTCCCTCCATCTCCTTTCTCCCATGGCGTATCACAATCACCTCTCTCA  
AGACCTTCTTCACTTCTCTGACCACCACCACCAAATCAACCTCTCTGATTCTTCTTCTCTCCGTAACATT  
CTGCCGGACCAACTTCCCGCCGGCCACACCTCGCCGGACCCCAAGTCTCAACAACCCCATCATCACCACCATCA  
TCAACACCCTCTTCAAGCCGCCCAATTGGCTCAACAACGCACTCTTCGTAACCAAACCCCATCTCACTT  
CTCTACCGACACCGCCACCACCGCCGCTGCTGCTAATACTAATTCCTCAACCTTCATACAACTGCATCTGATTC  
TACCGTTTCTCACTCTTAACCAATGGCTTTCCCGTCCGATTCTTACCGTAACCATAGCGATGTTATAGATGA  
TGTCGCCGCCGCCGCTGCCGGTGATGCTATGATCGGTGCTGCCACTGCTGCGCTGTCTCATGATTCTGGTGAC  
TTGAAGAACGATGCTAATAGTGGTGATGGATTGAATAAAAGTGAAGGTATGGTGATGGAACCTGGTGCGGG  
TGGAGAAGGGGTTTGAATTGGCAACATGCTCGTTATAAAGCTGAGATTCTTGCTCATCTCTTTATGAGCAG  
CTTCTCTCCGCTCATGTTGCTTGTCTTCTGATCGCGACCCCGGTGATCAATTACCGAGGATCGACGCTCAGCT  
CGCTCAGTCTCAGAATGTCGTCGCCAAGTACTCCGCCTTGGGCCACTCGGCTCCACCGTCCATGGTTGGTGAT  
GATAAAGAGGTCGATCAATTCATGACACATTACGTTCTTTTGCTTTGTTTCATTCAAAGAACAACCTCCAACAACA  
TGTTTCGAGTTCATGCTATGGGATATCGGTGAAAATGACGATGGA

>trans\_c\_2527 AY106787|Zea mays PCO079877 mRNA sequence

AGCTTAATTTGGACGAACCCTAGTTTCCGTTTCAAATTTGGGAAATTTCACTCTTTTCTTTTGTATTCTCCTCAT  
TTCCCGCTGTGAAATACTTCACATCTTCACAAACCTCCCGCCAGTCGTGTCAATTTTAATTGGGCACCCAGTTCT  
CGGCATCACTTAGCGTGAAGAAATTATAGTGACGATTTGATTTGTTTTGCAAACAAGAGATGATGAAAGGAA  
GAAATTCCTGGGAATTTGTGCAACCATGTTTGACAATGCATCAGCCATGGGCTTCTTTGCTTGTCTACGGAATC  
AAACGCATCGAGGGCAGGTCTTGGCCTGCACCGCTTAGAGGCCGTCTTTGGATTCATGCTGCAAGTAAGGTTT  
CTGAGGATTCTACAATCAAAGCAATGGAGGACTTCTATAGGGAACCTTATGCTTTGGATGGAATTACTGATCTT

AAGTTTCCAGAACATTATCCCGTTTCAAGGCTTTTAGGGTGTGTTGAAGTGGTTGGGTGTGTGCGTGGTGAAG  
AACTGAAAAATTGGGATGAAGTACCTGAAGGGGTTAGAGTAGAAGCTCAAACCTGATTTCTGCTGGCTCTGTG  
AACAACCACAGAAAATTGCTGATTCCATTCGAGATGCGCGGTTTCCAGGGTGTATAAAGTTAGAAAAGAGGAT  
ATTTGAAGCAGCAGTTAGAGGTCTACCCGTGTTAAATGCCCACTGCCTGTAAAGTTCCAACCTCCAGATCCTA  
GAGATCCATTCTCCTTGAAGCCAGGATCTGTATCTTCATGTTCTCCCGAGACTNCAGGATCTGGATCTGAAGTG  
GAGAAGTCATCTAAACTCATGCTGCGATAGCTGGTGCTCGAGCAGCCGCTACTCAGTTTACAAGAAAGTACC  
AGGACCCCCAACTTCATCTAATTTTTGGATGGGAAAGTAATCCAGAACT

>trans\_c\_2528 NM\_127334|Arabidopsis thaliana ARAC1; GTP binding (ARAC1) mRNA, complete cds

AAGGTTTGTGGCGCAGATTGGTTTGCTCAACGAACGCTTCATCGGCATTATTTCCCGGCTTCAAAGGTTACAG  
ATCTGAGGCCCCCCCCACCTCCACCCCCACCCCGCCCTTTCTCACAATGAGCGCTTCAAGGTTCAAGTGCG  
TCACCGTTGGAGATGGAGCTGTTGGCAAACTTGCTCCTTATCTCCTATACCAGCAACACCTTCCCCACTGATT  
ATGTGCCTACTGTTTTTGACAATTTAGTGCAAATGTAGTTGTGAATGGGAGCACTGTAAACCTAGGGTTGTG  
GGATACAGCCGGACAGGAGGATTATAACCGGCTAAGGCCTTTGAGTTATCGTGGGGCAGATGTTTTATATTG  
GCATTCTCTCTCATTAGCAAGGCCAGCTATGAAAATGTTTCTAAAAAGTGGATTCCAGAGTTGAAGCATTATGC  
TCCTGGAGTGCTATTGTTCTGGTTGGAACCTAAGCTTGATCTTCGAGATGATAAGCAGTTCTTTATTGATCATC  
CTGGCGCAGTTCCTATTTCAACAGCTCAGGGAGAGGAGCTTAGAAAGCTGATTGGAGCTCCAGCATACATCG  
AGTGACAGCTCAAAAACCTCAGCAGAATGTGAAGGGAGTTTTTGATGCAGCAATTAGGGTTGTACTTCAACCTCC  
AAAGCAGAAGAAAAAGAAGAGCAAAGCTCAGAAAGCATGCTCGATATTATGAGCGAAATTCTAGTTGTGAAA  
ACATGACACCATCCTTTGTCTGCCTGTATTCTCTCATCTTTTCTTTTCTCTCTTTTTTTCTTTTCTATCTTTCCTT  
TTGATTCTGTAGTAGCCTAAAAGTCTGATTATTTTTCTGTCCCGCAATACTCGCAATCTCTGTGAAGCATCAAC  
GGGTAGTTTGTACTGCTTCTCTGGAACGACGTGGTATCGAATT

>trans\_c\_2529 NM\_001063986|Oryza sativa Japonica Group Os06g0300600 (Os06g0300600)  
mRNA, complete cds

TCGACGGCCGCCCTCTCATTCTCAGAATGCAGAGATCGTTAAGTTTTGCCAGTCAGCTCGTGAAGAGGCGAGG  
ATTTTCGACGAATTCTGAGAAAATTGTAGCTAATGTACTGTTGAGAGGCTGCCAATTGTGATTCCGAAGATT  
GACCCCGTGGTCTATGCATTTACGGAGTTCCGGTTTAGGTGGCAACAGCAATATCGACGCAAATATCCTGACG  
AATTTTTAGATAAAGCTGATGCCAGGGGAAAAGGTGACTACCAAATTGATTATGTTCCAGCTCCACGGATTAC  
TGAAGCTGACAAAACAAACGACAGGAAGTCACTGAAAAGAGCACTTGACAGAAGACTTTATCTTCTCTCTAT  
GGTCCCTCCATTGGGGCACCTGACGAGAAACCCATCTGGCACTTTCCAGAAAAAGTTTACGAGACCGAGGAG  
ACATTACGTAAATGTGCAGAGTCAGCCTTGAAGTCCGTCCTCGGAGATCTTCTCATACATATTTGTTGGTAA  
TGCTCCAATGGGTCATATGGTTGTACCACCTACAGAAACTGCACAAGTTCCAACCTTTGAAGCGATTCTTTTTTA  
AATCTCAAGTGGTTGCAACCGATAAATTCGATATTGGGAAATGTGAAGATTTGTATGGGGTACAAAGGATG  
AATTGTTGGAGCATTTTCTGATCAAGCGGAGTTTTCAAGAAGATGATCATCAGTTGATGTTAGTAGATTGAC  
GATAGGAAACCTCACATAGATTGCCTCAATCAACAAATTTATGGTCAGGATGTAAGTGGCGCAGAAAGATTGAG  
GTTATGAAATTTTAAATTAAGGGTTTGAGGCTGGAGGTTTTGTTTTGTGTTCTGAATGTAAATGGACGAATG  
AGGATAACAATTTGGAATCAGTATTTAGGCATTTTCTTCTTGCTGTTTCTTTGAT

>trans\_c\_2530 EF177192|Rosa chinensis eIF5A mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGATTGCAAAAATTATCACTTCGATTTATCAAAGTAAGCATCCAAAA  
CCCAATAACATTACCAATATCATAAAATAACACAACATAAAGCACAGTTATGATGCACGAACCAACCATACA  
TCCTGGGCCAGAAGGTGAGATGAGATGAGAAAAGGGAATGGAGGGAAGGAGAAGAGTGAGGCGTTAACAG  
ATACAAAGTCTGCTAATTAATTATACCATCATTTAAAAGATTCAATAGAGGAATTCGGCGATAAAAAGCAGTC

GATGACCACAACCTTTTAACTTTGAGTACGACGACAAGACCTACTTTGGGCCGATATCCTTCAGTGCACAAATTT  
GTTCTCTCCCATGGAAGACATCACCGACACGACAAGGTCTTTTCTTCAGCAAATCCCTCCTTAATCTGTTTGA  
GCAGGTTATCATCAGTTGGAAGTCTCAAATCATCTTGGTATCACCACTGTCAGTTAAAAGACTCACAAATCCA  
TCCTCAGAGATATCAATCAGCTGATATACGTACGATTAACATGGGGCACGTCACAATTGTGGGATGAAGGA  
ACAATATCTTCAAGCTTCTTGCCAGTGAAGATGTCGATTCCAACAAAGTGACACTTAGCATGCCCATGCTTTCC  
TGTCTTAGAAGTTGAAACCTCAACCACCTTGCATGGACGGTTCTTGATGACGATGTAGCCGTTCTCCGGATAG  
TTCCGGCCTGTTGTGGGTAGGTCTTGGAGGCTCCGGCGTCGGCCTTGGATTCAAAGTGATGCTCCTCGTCCGA  
CATGGCTAAAGATTTTGTCTTCTACAGCTTGCGGTGGGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGTGTTCAACAG  
TGGGATTTCTGTTGGAAGCGGAAGGAAAACGGGAGGAAGGAGGAGAGT

>trans\_c\_2531 AJ489614|Cicer arietinum mRNA for microtubule associated protein (map gene)

ATTGAATACCGAACCAACGCCACCATGAAGGCTTCACTCTCTTTTTATCTGTAATTCAATCAAAGCTCGATTCTC  
GCAAATTTTCTCGCCCAAAAGCCATTTCTTTTTTGTGTTGGGACAATTGGGTCCGTTTTTTTTTTTTCTTTTACT  
CTCAGCTGGATTCCACCTCGATTGATTTCTCTCAACTCTCTTAGTTTCAAGACTGATGGCTAAGAGTTACTT  
CAAGCAAGAGCATGATCTTGAGAAAAGAAAAGCAGAGGCTGCAAGGATTAGGGAGAAATATCCCGATAGAA  
TTCCTGTTATTGTGGAGAAGGCAGAGAGAAGTGACATCCCTAGCATTGATAAGAAGAAATACCTAGTTCCTGC  
AGACCTTACCGTGGGACAGTTTGTGTTATGTCATCCGTAAGGATTAAATTGAGCCCGGAGAAAGCGATCTTT  
ATCTTTGTGGACAATGTCCTCCCTCTACAGGAGCAATCATGTCTGCAATATATGAAGAGAAGAAGGATGAAG  
ATGGATTTCTCTATGTTACTTACAGTGGAGAGAACACATTCGGGTGGTAGCTGGCTTGTGTGATAGACCTGAT  
TGTTCTTAGTTTTTCGTTTCAATTGCTATTGTCGCCAGCATCGTTGTCACCGTGTTCCTGTCCTCTCTGCCTCAT  
CCTTTTGCTGCTCCTGTTCTTCCAGTTCAAGGATTTGGGCAAGTGATGCATTCTGTACAGCTCTATATAATGAA  
TAAAAATTGTGAAAAACATTTCCGCACCAAAAAGTTCTTGCTTCAAATATTGCCTTTATAATTCCTTTTACCCCT  
AATTTTTTGGTGGGGGTTTTCTTCTGTTTATATGCTTGTAAGATAAAATCTCGTACAGAAAACCCTTTTCTTC  
TCATTAGAAAGATATTCCATCTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2532 XM\_002882910|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phospholipase/carboxylesterase  
family protein, mRNA

ACATCCCAGCATATTACACTTCTGGCTCATTGCATATACTCGCAACTCACAAGTGCCTCTTAAGTGCAGTTCTTA  
CAACTTTCAACATGAGCTACTCACATTCTAATATCAGCTCTGGTAGTAGATCATCAGCAAGAAGGTCATTAGAG  
TTTGGAAGGACACATGCTGTGAGGCCCAAAGGAAAACACCAAGCCACTATTGTATGGTTGCATGGTCTTGGT  
GATAATGGCTCTAGCTCTTCTCAGCTCCTGGAAACCCTTCTCTTCCAAACATCAAATGGATTTGTCCAAGTCT  
CCAAGTGCACCATGATCTCTACTCGGAGGCTTTCCTTGCACTGCATGGTTTGATGTGGGAGAGTTTTCAGAAG  
AAGGTCCACATGATTGGGAAGGTCTTGATGCCTCAGCTGCCATATTGTAACTTACTGTCTGCAGAGCCATCT  
GATGTAAAAGTTGGGATTGGAGGCTTCAGTATGGGAGCTGCAATGGCACTTTACTCTGCGACCTGCTGTGCTC  
TTGGAAAATATGGAAATGGAGTCCCATACCCCATCTACCTAAGGGCAGTTGTTGGACTTAGTGGCTGGCTTCC  
TGGGTCAAGGAGCTTAAGGAACAAATTTGAAGCATCGCACGAGGCTACGAGGCGAGCGGCATCGATTTCCTAT  
TCTACAGTTTCATGGAACAGCTGATGAAGTAGTACCAGTAAAGTATGGAGAGAAATCAGCCCAGACCTTGACC  
TCAGCTGGGTTTAGAACTCTAGTTTTCAAAAGCCAAGAAGGGCTAGGCCATTACACAATCCCAAAAGAGATGA  
ATGAAGTCTGCAGTTGGCTAACTCAAGGTTGGGGCTTGAGGGCTATCGTTAAGAAATTCTGAATACTCCATT  
TTTCAATGGTGTAAGCTGAGAAGAAAGAGGACAATAAAGTTTTTTTTTTTTT

>trans\_c\_2533 XM\_002890199|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SNF7 family protein, mRNA

AACCAATTCCCACCGTTGAATTTGCATCTTCGTTCTCTCATCGTTGCATTCTCAAAAACCCTAGATTTCAAAT  
TGAAGTTCTCTGTATCTTCACAAAATCAATTACTGTTTTGATCATGGGTAACACGGAGAAATTGTTGAACCAGA



TCATGGAATTGAAATTTACGGCGAAATCACTTCAACGCCAAGCGAGAAAGTGCGAGAAGGAGGAAAAATCCG  
AGAAGCTCAAGATCAAGAAAGCCATGGAGAAGGGAAACATGGATGGAGCACGAATTTACGCTGAGAATGCA  
ATCCGGAAACGTACAGAGCAGATGAATTATCTCCGACTCTCTTCGCGGCTCGATGCTGTTGTGGCTCGTCTCG  
ATACGCAGGCAAAGATGTCCACCATAAACAAATCTATGGGCTCGATCGTCAAATCCTTGGAAGTACTTTAGC  
CACTGGTAATTTACAAAAGATGTCGGAGACCATGGATCAATTTGAGAAGCAGTTTGTGAACATGGAGGTACA  
AGCTGAGTTTATGGAGAATGCGATGGCGGGTTCGACATCTCTGTCAACGCCGGAGGGAGAGGTGAACAGCTT  
GATGCAACAGGTGGCCGACGATTATGGATTGGAGGTTTCTGTGGGTCTTCCACAGCCGGCAGCTCACGCTGTT  
CCGGCCAGGGAGACCGAGAAAATCGACGAGGATGACTTGTCAAGGCGGCTTGCTGAGCTTAAGGCGAGAGG  
GTAATCAATTTATACTAGAATTAACATCTGCTATTTGTAAATCTACGCATTTTATTGCTCACTTGTATTTTAGTA  
CCTACGAGAACTTTATATTATGTATAAATTTGAAGCATTTGATTTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2534 BT010505|Arabidopsis thaliana At3g20510 gene, complete cds

TCATAAGGCAGTTGAGAAGAATTGGAAAACCTCCATTCTCTTTGATCTGTGAAATCAAAAAGAAGGATTTAT  
TCAAAATCTGTTATTCTCGGAAAACCCAATTTGAAACATGCATGATTTCTGCTTCACAATCCCTTATGGATTGA  
TTTTAGTTGGTGGTGGCATTTTTGGCTACCTCAGGAAAGGGAGCATAGCATCGCTAGCTGGAGGTGTGGGTA  
CTGGATTGGTTCTAATTCTCGCTGGATACTTGAGCCTTGAGCTTTCAAGAAGAAGAAAAACTCTTATCTTGCT  
CTGATTCTTGAGACTGTATGTAGCGGTGTGCTTACCTGGGTGATGGGTGAGCGCTATTTACAGACTTCTAAGA  
TCATGCCGGCTGGCATTGTAGCTGGAATCAGTTCTCTCATGACTTTATTTTACCTGTACAAGCTCGCAACTGGC  
GGTAACCATATTTCTCCCAAGGCCGAGTAATGATTTCAAACACTTCCGATATTCAATATGGGAAACGCACTGG  
ATCACACTAGAACTCAAACAATGTATTAGTATACAAACAATTGCTGTTATTGCTAATTTATGTTGGACGTGTA  
AACTGAATGATCATTGCTGAATATAGATAAGGTGGGTGAAAGAAAGGCTTAGAGTTGTTATTTGAACGTGTG  
CTTGGGGAAGCTCTGAGCTGTTGCTGGATGAGTTTGTCCCGTCTTTTACATGTGTTCTTACTTGGAATCAAG  
TTTTCTCGTAAATCTTTGATTCTGTTACAGATTCTTGTTGTATTTTTTTCTTCTGTGCATCATCTTTTTTGTCA  
TTGATGTAGTACTTAATGAAACCGACTGGGAGCTAAAAACATCTTTGCTGACATTCCACATTGTCAAATATTC  
AAAGATTTTGTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2535 XM\_002874105|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L13, mRNA

AGTGGCTGGAAGTCTGAAAGAGAAAGCTCACTCCGCCGCGTTAGGTAAAAAATGAAGCACACAATGTTATC  
CCTAGCGGCCACTTTAGGAAGCACTGGCAGAACTATGTCAGGACCTGGTTTAACCAACCTGCCCAGAAAGACTA  
GGAGAAGAAACGCTCGTCAGGAGAAAGCTGTGAAGAACTTTCCCGCCCAACTGCTGGACCACTCCGTCCCG  
TAGTTCACGGTCAGACATTGAAGTACAACATGAAAGTGAGAGCTGGTAGGGGCTTTTCTTTGAGGAGTTGA  
AGGCTGCAGGTATTCCCAAGAACTAGCACCAACAATTGGCATAGCAGTTGACCACCGCCGTAGGAATCGAT  
CTCTGAAAGTTTACAGGCTAATGTACAGAGGTTGAAGACATACAAGGCGAAGGTGGTTGTCTTCCCAAGAC  
GTGCTCGTAAATTTAAGGCTGGTGATTCTACTCCCGAGGAGCTTGCAATGCCACCCAAGTCCAAGGACCTTA  
CCTGCCTATTGGGCGCGAAAAGGCATCGGTTGAGCTTGTGAAGGTCACCGAGGATATGAAATCATTCAAGGC  
ATACGACAAGCTACGTGTTGAGAGGATGAATGCACGACATGTTGGAGCTAGATTGAAGAAGGCAGCAGAGG  
CAGAGAAGGAAGATAAGAAGTAGATTGCCATAACGACTGCTTAGAGGTGGTTGTATTTTCTGAATTTTGGTAT  
TTATTTTACAACATTTTGGATTTGACATATCTTCTGGACTTAATTTGGTAGATGAAAGGTCTGAATTCATGGAC  
TCAACCAGTTAATTGACCTTTGTTTTTGGTCTTGTGTAGTATTGGCACTTCGTTGTGGTTTACCGCATCCAAATT  
AGCTTTTGTCAATCTTTGCATTTGTTTGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2536 XM\_002305503|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

TTGTATTTTGATCAATTCAATAGTTTGGCTCTGAAAAAGAACCCATTAGTTTGGGGTTGAGAAAACTCCCAA  
AATTGTCATCCGCAGGCAAAAAGCTATAAATTGGGCTTCGCCACCGTAACTAAAGCCTTCTTCTTCAATTG  
GTAATTTTGGTATCTGAGTTTCCAACTTATCAAATCATCCATGGCTGAATGGTCTCATCTCCCAAGGATCTCC  
TCTACCTCATTTCCCAACGTCTCCAAATCCTTCGACACCATGCGTTTTCGATCGGTCTGTTCTCGTGGAGAT  
CTGTTGTCTCCCCTAAGCGCCATACATTACCTGTTGATTCCATTCTTCCAAATCACGGCATATCTGATCCCA  
CTTGGGGTTTCAATCTCACCAAGCGCTCCGTTTTCCGTGTTGGGTCTCCCATGGATCACTCAGACGGCTGGTTG  
ATCAAGGTGGAAGAAGATGCCTACGGAATGATTAAAATATCAAACCCCCTCTCTAAATCTTACTTCAAGCCCTT  
GCCTAAAAATTTCCCAAGGTACTAACTTGTGAATTTCCGGTTTTAGAGCTTTGCCAGGAGTATGTGCTGC  
ACTACCTTAATTTTTGGCCTGTGCGTCATCGCCCTGGTGATGCTGGCGATTTGTATAGGGAGAAAATCGCTTAC  
AAGTGTGTTGAATTATGATGGTAGTCAATTCGTTTTAGTTACTATTATCATGTTTCTGGAAAATTGGCTATGTTTAA  
TCGGAGGATGGGCAGTGGAGTACGATTATCACAATGCATTACCTTATGACGATGTCATATTGTTTAAACGGG  
GAGTTTTATGCTGTTGATAATTCTGGGGCCACCTTCGTGGTGAATCTCAACATAAGGTGACTTTGATTGCTGA  
ACCTGTATTCGGTGGCGATAAGAAGATTTTGATGGAATGCA

>trans\_c\_2537 NM\_001060735 | Oryza sativa Japonica Group Os04g0669100 (Os04g0669100)  
mRNA, complete cds

AAATTTACATTAATAAAAAAAAAAAGTCGATTATATACTGCGCTCTCTCTAAATCTTAGATAAAAGAAAAAAAAAAAA  
AGGTGATCGGAGAATCGAAGTCTTTGAATTCTTGGGAGGAAATCGTCAAAATTCGGAGTATTCAATCTGGAA  
ATCTGATCCTTGACCTCTTTAGTATGCGCTATGCAGAGATTAAAGGCCTCAGGAACCTCGATTGTAAGCTCGAT  
TTCAGCTGCTGGGTTGAAGAGGAAGGCCGTAAATTCATGGACGGCCGTTGAGGATACTTTCTATTCTACCAAG  
GATGTATTCGAAAGGCACAGGGTGGTTTTACAGTCGGGACTTCTGTTGCATCAGTCGCAACCGCTGGATTG  
GGTACACTTTACGCCATTATCATGACATCCAAGTTGACAGAAGACTTGAATCTATTGAGGAAGCTATGAGAAC  
AAGGCATCAACTTGAGCATTCTGAACCTACAAAGGTTGTTAATGCAGGAAAGATCAGCGTGCCTGCTTGCTTT  
GCTACTGCTGGAAGTATGTTGATTATTGGATACTGTTGGGATGGCGAGGTGGGAAACAGTATGCAAACAAG  
CAGTTTAGAAGAGAGCAGATGAAGTTGTTGGGGGAGATTAAACCTAGATGGTCATTGCTCACGAGGCTAAAA  
CCTAAAGAACTGATCTTTCCATTTAGGAGATCATCTGGCAAAGCTGGGATGCAAGAAAGTGGCAGCCAAATAC  
GGAACAAAACCTCTAAAAGATGCTGCAGCACAAGAACATTAGGAGAGAGTCAACCAGTCCCAATCAATAGCAT  
CATGAGGAAATGGTGCAATGCCATAATCAGAGAGCTATCTGTTCAGTGGGGTAAAGTCTCATTCTTCTTTGT  
CATTGAAAATATGTAGGAAGTGAGGATTTTCTTTTTTCAATACTAATCTTAGTTT

>trans\_c\_2538 XM\_002313753 | Populus trichocarpa phenylcoumaran benzylic ether reductase -like  
protein (PCBERp6), mRNA

ACTTCTGATTTTAGATTATTGGGTGAAACCACCGCGGGGAGCTCCAAATTCATACCGTCAGATTCTTCATCGT  
CGCCGGTGGAATCTGCCACACGTCTCAATTCAACTCGATAATGGAGGAGAAAAGCAAGATTCTGATCGTCG  
GAGCAACAGGTTATCTAGGGTTCCATTTGGCTCAAGCCAGCTGCAATGCTTCTCACCTACACTTGCTCTCATC  
AGAGATTCTACTTTCTTTCACCTACAACTAGACAAGCTCCGAGCTCTCTCCGATGCTGGAGTTAAATTCATT  
AAGGGTTCTCTGGACGACGAAGCTAGCCTTGTTGAAGCTGTTAATCAAGTGGATGTAGTCATCTGTGCTGTTT  
CCTCTAAACAGGTGTCGGAACAGAAGCCTCTGATTGGAATCATCAACAATCTGGCTCCATTAAGAGGTTTATT  
CCATCAGAATTTGGACTTGATCCTGATAAGGTTCAAATCTTAAACATGGATTATGACTTCTATTCCCAGAAAGC  
CGAAATTCGTCGGCTGGTTGAAGCTGAAGGCATTCCATATACCATAGTTTCTTGCAATTTTTTTACAAGTTATTT  
ACTTCTTCCCTTGTTCAACCAGGCATGAAAAGCCCTCAAGGGATAAGGTGACAATATTTGGTGATGGAAAT  
ACCAAAGGTGTTTTTATGAAGGTCAATGATGTTGCTGCTTTAACAATTAGTGCAGTGGATGATCCACGCACATT  
GAACAAGGTAGTCTATTTAAGGCCTGAAGGAAATGTTTATTCCTTGAATGAATTGGTTGAGATTTGGGAGAGT

AAAATTGGGGAGAAGCTTGAGAAGAATTATGTATCAGAAGAGGAGCTGCTAAAGAAAATTGAAGAGACTCCT  
TTACCTGACNACATGGAGTTCATCTTCGTATATTCTGCATTTATAAGGG

>trans\_c\_2539 AC182672|Populus trichocarpa chromosome Pop1-25F8, complete sequence

AGAATTGCCCAGTTTCATCAACATTTAGCCGAGAACTGGACTTGGAAGTGTCTGCTCTCCAGTTTATGATACG  
AGAGTACCCAGGAAATGAACAAGAGAAGATGAGAGGAGCAATTGGGAAGTTTGGGCTCTCCGGCAAAGCTC  
AAGTGATGCCAATGAAGAATTTGTCTGATGGGCAGAGGAGCCGTGTTATATTTGCCTGGTTAGCATGGAGAC  
AACCCACCTATTATTGCTTGATGAACCCACAAATCATTTGGATATCGAGACCATCGATTCAATTGGCTGAGGCA  
CTGAATGAATGGGATGGAGGTATGGTTCTGGTAAGTCACGATTTTAGGCTTATAAACCAAGTGGCCGAGGAG  
ATATGGGTGTGCGAGAATCAAGCTGTAACCAAATGGGAGGGTGACATTATGGACTTCAAGGCACATTTGAAG  
ATGAAGGCTGGATTAGCTGATTAAAGCTGTAAAATCGTGAGTTTACCTTATTAAAATCTCTATACCATAGACCG  
TGGCTTAATTGTGTCTCATCATATTTGCGCCGAGCTCGGCCAGCATGTGTGCTTGATGTGCCGACACAACAAGC  
CAAAGTCTTGAACACTGATGATGGATGGGGCTTGGTTATTGTTTCGAGCCAGGAATTTTAAATGGGCGTAGTA  
GGTAATTAATGTTTTGTTTAAATCATTCAATGTTACCCCTATATCTTTCAGTTGGTTTTTGAACCAACTAGATAG  
AGCTATATGATGTCTAATTATTTATGTTTAGACAGACAGCATGCGACTACAAACAGACAGAGTCTTATATTTTT  
GGTTTTGATTTCTTATTTGTCCAATTTGATTACCCGAGCTTACCTAAGTAATGTAGCAAAGCGAGCTTGTAAAT  
CAATAATATTTTGAGATTTTTGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2540 FM211595|Arabidopsis thaliana mRNA for chloroplastic nicotinamide adenine  
dinucleotide transporter 1 (NDT1 gene)

GCTGCTACAACCTATTGCAACCAATCCTCTATGGGTAGTCAAGACCAGGCTTCAGACACAGGGAATGAAATCTG  
GTGTGCTACCATATAGAAATACAGTGTCTGCCTTAAAGAGAATAGCATCTGAAGAAGGCATTCGTGGATTGTA  
CAGTGGTCTTGTGCCTGCTTTGGCCGGTGTAAGTCACGTTGCAATTCAGTTTCCAACATATGAAAAATTAAAA  
GTTATTTGGCTAGTAGAGACAATACGACAACGGACAACTCACTGCACGTGATGTTGCGGTTGCCTCATCTGT  
CTCCAAGATATTTGCTTCCACGTTGACCTATCCACATGAGGTTGTACGATCCAGGCTTCAGGAACAGGGGTTTC  
ACTCCGAAAAGCGTTATTCAGGCGTAGCTGATTGCGTAAAGAAAGTATTTTCAGCAAGATGGTCTCCCTGGTTT  
CTATCGAGGGTGTGCAACCAACCTTCTCAGGACAACGCTGCTGCTGTCATCACATTTACGAGCTTTGAAATGA  
TTCACCGATTTCTTGTCAACTTATTTCTCCCGATCCACATCCACACACATTATGAAGACAAATAACATTTGCTC  
AACATTGAACAACTAATCGAGTCGACTCATTCACTATTCTTTGGGTACACTAATTGACCCCACTAGTTTGTA  
GCAGCAACTCAACACATTCTTGCCTCAGTAAAGTTTCAATGTTATCAAGTATCCTTTCTGGTGAGGAGCAGCAT  
GTCGTTTTTCTTCTTTACACCATGACGATGACGAAGAAAATGTCGATAATTAGACACACTGTTTTCTAGTTATT  
TCTATTAGATATACCATCTTTTTGTTTGAAATTGTTTGAATTGTGACTTGATGAATTGAGTTTATGATAGTGTT  
GGTATTCTTTTGAGCTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2541 AF357528|Arabidopsis thaliana Golgi SNARE 11 protein (GOS11) mRNA, complete  
cds

TTCGTCAAGGACTCTACCGGTTGATTTTTGCAGACGATCTGTCTCGTCTCTTAGCGAACCCATTTCTTCGTCTCT  
CTAAAGCTAAATTTTTACCAATCCTTAAGGAAGAGGCGGAGGAATTGGATAGATTTGAGAAGAGAGGATT  
CGATTGCAAAATTTGACCCCTGTTTTTTTTTTTTTTCATCAATAATTGATGTCCATATCCATGGAGATTCTAGCT  
CGTGGGATGCCCTTCGCAAACAGGCAAGGAACTGAAGCTCAGTTGGATGAGCAGATGAATCTTTTCGAA  
AACTGGTTTCAACAAAGGGTTCTACGAATGTTGAGACTGCTGATAGTGATGTTGAATCTGGGATAGAACGTCT  
GTTAAAGCAGCTACAACAAGTGAATTCACAGATGCAAGCTTGGGTCTCATCAGGTGGTTCCGAAATGGTTTCC  
CATACCTTGACTAGACATCAAGAAATCTTCAAGATCTTACGCAGGAGTTTTATCGTCTTCGCTCCAGCCTCCG  
AGCCAAGCAAGAACATGCTTCACTTTTAGATGACTTCAGGGAGTTTGATCGTTCAAGACTTGAATTGGAAGAT

>trans\_c\_2542 GU065681|Populus trichocarpa tau class glutathione transferase GSTU50 mRNA, complete cds

>trans\_c\_2543 NM\_001058627|Oryza sativa Japonica Group Os04g0129600 (Os04g0129600)  
mRNA, partial cds

>trans\_c\_2544 NM\_203040|Arabidopsis thaliana carbon-nitrogen hydrolase family protein (AT5G12040) mRNA, complete cds

TGGTATAAAACAAAATTCTCAAGAGACTGAAATGAAAGCAGCCATTTCTTCATTGATAAGCTCCAGAAATTTCA  
ATCTCCATCAATCCTCACTCTCCCGCTCCATTTTCCGGCAGCCTTCCCTTCTTCTACCGTCTCGCTTTCCGGTCTC  
ATCCACTGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGAGACGCCAATTTATCACCTGCACCATAAGTTTCGTTTCCACTCC  
ATCAAGTCCTCGGCAAGTATGGCATCATCCTTCAATCCCAGCAAGCTAGATCTCCACCGGCACTTCCGTTGTC

GATCCCTCCCGTAACAAAGTTTAAAATCGCGCTATGTCAATTGGCGGTGACGGCTGATAAGCAAAGGAATATT  
GAACATGCTCGTAAGGCCATTGAGGAGGCTGTGGAAAAAGGTGCCAGCTTGTTGTATTGCCGGAATATGG  
AATTGTCCTTATTCACATGATTGCTTACCACTTTATGCCGAGGACATTGAAGCCGGTGGTGATGCCTCCCTTC  
AACAGCCATGCTGTCGGAAGTTTCTCGCCGTTTAAAAGTCACAATAGTCGGCGGCTCAATTGTAGAGCGCTCG  
GGGGATGAACTTTATAATTCTTCTGTGTTTTGGTACTGACGGAAAGCTGAAAGCTAAACACAGGAAGATTC  
ATCTTTTTGATATTGATATCCCAGGAAAGATCACTTTTATTGAGTCCAAGACCATTGCAGCGGGTGAAACTCCT  
ACTGTTGTAGACACAGAAGGTGACGTATGGGCATAGGAATCTGCAAGGACATCCGTGTAACAGTAACAACTA  
AATGAAGCATAACGCAAAAGACACTCACTCGATTAGCGACCATGGGGCATAGAAAATAACTACTTGCTGGGC  
TCATCAGAAGTTGGACGTATTGGCATAGGAAATCTGTATGACATCCGTTTT

>trans\_c\_2545 AY056434|Arabidopsis thaliana AT5g24690/MXC17\_8 mRNA, complete cds

GCTATCCTTAATCCATTAACCCCTTTCTCCACCTACTTTCTTCTCTTTTTCTCTCTAATTTCCCCATTTCTT  
AGAGAGATTGAGTACCAGGGAAATTCGGAATCCTTAGTCTTCTTCTTCTTCTCCCGTTTCAATCTCGATGAC  
CATTTAGACAACAGACGGGATTCAATTCAACCTCATCCATAGCCGAATATGTCTCATGCGGTGTTTCAAACGGC  
TCAAATCATGCCCATTAACACCCAGCTTACCACCAACAAGCTATGGCTGCCCTCGGTTGTTAAACTCGGTCCCT  
CTTATCGAAATAGAGCAGTTTTGGTGGTCAAGGCTTTCACAACTTCTTCTCCTTCTTCCCTTCTTCTTCTTCT  
TCGGGTGTTCTTATGGGGATTCCATTGCTTTTCTGGAGCGTTGCTTGAACCCCTCTGCGCTGCTGGGTC  
TGACCTTTTTCTGCCATATCTTCTCCTTTTTGGCCCTGTTATGAAAGGCCAATTTGGTGCCCTGGTTCTGTA  
ACTTTGGAGAAATCCAAGCTTGATTTGTCTCAGAAGCAGTCCAAGTCTAGCCCTGAGACTGCAATTGGGGGAG  
GTGGTGGAGATATTGGCAAGAAAATCAATCATGGTGGCGGTGACGGTGGAGACGATGATGGTGATGATGAT  
GATTACTATGATGAGTTTGATGATGGCGACGAGGGAGATGAGGGTGGCTTGTCCGGAGAAGGAAATTTCTT  
GAAGAGCTTTTTGATCGTAAATTTGTAGATGCAGTATTAACGAGTGGCAGAAGACAATGATGGATTTGCCTG  
CTGGATTTCTGTCAGGCTTATGAAATGGGTTTAGTTAGCTCGGCTCAAATGGTAAGATTCTTAGCAGTGAATGC  
CAGGCCAACTACAACCTCGGTTCAATTCACGGGCACTTCTCTCA

>trans\_c\_2546 GU732461|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D37)  
mRNA, complete cds

AACCTCAACCCGGATCTCTCAACTCTCATTTCCGGAGAGAGAGATAAAACCGACCCTTTGAGGTTGAAGAAGA  
AGGAGAAGGAAGAACCAGAGACAAAAATGGCGATCCATAATTGACCCTCCATTCTATACGATGCGGTAATC  
ATCTTTCTCAAATCTATCGATTACTTTTCTTTTCTCTCAACAATCTACCATTTCTGCAATTTTTCTCGTTTCCGT  
TCGAAGATTTTTTCCCTCTTTCATCCATGCGGCGAGGCAGACCCTCAGATCCATTTACAGCTACAGAAATTCCC  
AATTCAACCATTCAGCCGGAAAATCCTCTCAAAGAGATTGTTACAGAGGCGTTCGTAAGCGCCCTTGGGGTA  
GGTACGCTGCTGAAATCAGAGATCCTTGGAAGAAAACCTAGGGTTTGGCTTGGTACCTTTGATTCCGCTGAAGA  
GGCTGCTCGGGCTTATGATAATGCCGCTCGAACCCTTCGGGGTGCCAAGGCCAAAACCTTTCCTTTACATC  
CATCCACGATTTCCATTCAACAACAAATTCCTTTTACCAATCTCCCCCTGATTTGCACGATTGCAATGGTTTTG  
GTGCTAAGATCGAGTGCCTTCAGGCCAATAGGCCTACATCTAGCAGTCTGAGTTCTACCGTGAATCGTTTAG  
TGGACCGCGGATTTCTAACCCTTTGTCGTCCTGTCTATGGTTCGTCGGAGGCCGGTTCAGCCAGTTTCGCCAG  
ATGATTGTCATAGCGACTGTGATTCGTCTTCTCGGTTGTTGATGATGATGAGGTCTGTGTTCTTGCTTCTTTCC  
GTAGAGCTTTGCCCTTTGATCTTAACCTACCACCTCCGATGGACGTCGTGGATTAAACCGGTGATGATCTTNCA  
GCTACTGCTTTATGCCTCTGATGAGTGATGATACCATGTTTGC

>trans\_c\_2547 NM\_119793|Arabidopsis thaliana ALDH3F1 (Aldehyde Dehydrogenase 3F1); 3-  
chloroallyl aldehyde dehydrogenase/ aldehyde dehydrogenase (NAD) (ALDH3F1) mRNA, complete  
cds

ACTTGCAAGTCTACTGCTCAACGGATCGTTGTCGGAAAATTTGGAGCCTGCGCCGGTCAAGCTTGCATAGCAA  
TTGATTATATCCTTGTTGAACACAAATTTATATCCACCTTGGTGAATTGCTGAAGAAGTACATCAAGAAATTC  
TCGATAAAGGTTTGAACGAAGCGAAAAACATGGCGAGAATCGTAAACAAACAAACTTTTTGAGATTGAAGA  
ATATGGTGGATGAACCTGCTGTCCAAGCTACAATCATTTATGGAGGATCCATGGACGAGGACAAATTGTTTCGT  
TGAGCCGACTATTCTGTTGAACCCACCAAACGATGCAGAAATTATGAGAGAAGAAATCTTTGGACCAATCCTT  
CCCATAATTGGAATGGATAAGATTGAAGACAGTATAGATTTTCATCAATTCAAGGCCTAAGCCTCTTGCCATTTA  
TGCCTTCACAAAAGACAAAGCTTTCCAAAGAAGACTCGTCTCAGAAACTACGTCCGGCAGCTTGACATTTAAT  
GATGCAATTATTAGTATGCAGTGGATACACTCCCGTTTGGAGGGGTTGGTGAAAGTGGGATTGGCAGATAC  
CATGGAAAATTCTCATTGACACCTTTAGTCATGAAAAGGCAGTTGTGAAAAGGAGCTTCTTGATCGACTTCTG  
GTTTCAGATATCCGCCCTGGAACAATCACAAGCTTGAGCTGCTTAGACATGCTTATAATTTTAACTATTTTCAGTT  
AGTTCTCACTGTTTTGGGTCTGAAAAGGTCTTAATCACTAGAAGATTCTCCCTTAGCTTCTTTCAAATCTTCG  
TTCTCGTCTACTCTTACAAATAAACAATCTCTACTTTTGTAGTGACAAAATGTATCAAATTTCAACGAGGTCA  
ATCCCATCTTAATTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2548 NM\_124935|Arabidopsis thaliana C2 domain-containing protein (AT5G55530)  
mRNA, complete cds

TTTTATTTTCCCAAACTTTTTCTTCTCTCGGGATTCTACTCAGTACTCACAATTCATTTGGTTTTTGAATTAT  
AATAATGGCTACCCCAAGTTGAGAAATTGGGTGTCTTAGAGGAAGAGAAGAAAGAATGTGTTGTTGTGGGAAA  
TGAGAAGGAAAGAAATGAAGTTGTTGGTGTCTTGAGGTGTTTGTTTCATCAAGCTAGAGATATTCACAATATA  
TGTATTTACCATAAGCAAGATGTGTATGCAAGGCTTTCAATTACAACAGATCCTACAACTCTGTTTCCACTAAA  
ACCATCAATGGTGGTGGGAGGAATCCGGTATTCAATGACACGGTTCGTCTCGACGTTCCGGTCGATCGATACGA  
CACTTAAATGTGAGATATGGATGTTGAGCAGGGTCAAGAATTATCTTGAAGATCAGTTGCTTGGTTTTGCTTT  
GATCCCTTTAACTGAAGTTGTTGCTGTTGACAACAAGTTAGAGAAAGAATTCACTCTTTCTCGACTGATTTGT  
TTCATTCTCCTGCCGGTTTCGTACAGCTATCGCTTTCGTATAATGGAGCTTCTCCGGAGGTCATGGTAATCCCC  
ACTATCGAAACAACCTGTAGGGGTGGAGAATTCCGACTTAATCAAGTCGTCACATCCAAGTGATTTGGATATGA  
TCGAATTCGCCGATCCGAAGATTGCAAATGAAGATCAGATAATGGTGTCTGAGTATTTCCGGTATCCCATGTTCCG  
AATCTGGATTCTGAATCTTCCGAGAGCTTGCCCGTTTCTGAGAGTGAGAACCATCATGTCAATTTCTGCTGTGGA  
AAGCTCGTCGAGTGAAGATACAAAGATCGATTCTCCACTTAGTAAAGTGCAAAACGATGCCGTTTCTTCATCG  
CCATCACCATCGGCATTGGAAGCTCCCGTGAATTGGTACGCAGTC

>trans\_c\_2549 NM\_113247|Arabidopsis thaliana EDA6 (EMBRYO SAC DEVELOPMENT ARREST 6)  
(EDA6) mRNA, complete cds

AAGAGAGAGAGAGAAGAAAAAGAGCCCTAACCACTGGCCCTCATTCTTCTTCTCCGACGACTGTTCAACAGC  
AACAGGTAGCGACGGCCGGTGCCACACCCAAGCGAACCAAAAGCTCCGTCGTTGAGGGTGGTCTACGCTCA  
TCCACGAATCTGAGACTTGCAATTGTGAGCCTTCCCCTAGGCTTTTGCAGCATCATTTGACGACTAGTTCTGTCT  
TGCTACCGCTTTTGGCTTGGGGGGGTATGCTTTCGACTGTTACCCACACTCCCATTGATCTTAAATTAGTCTACC  
CATAACGTCTAAGGATCAGATCTGCAATTTGAATGCTTTTGAATGCCGTCCAGCAAGGTTCCGAGCCCTCTTTG  
GTAAGAGTCATTTTGGACTAGCTCGGACTGATCGACTCAGGTCTATGGTTGGTTTTGGTTGATTTTGGTTGGAT  
TGAGAAATACCGACTATTAAATCATCATCACCATGTCGCCTCCTGGGGGTTACCAAGGAAGCGAAAGGAGG  
TTGAGCCGCTTGTGAAGCCGAAAGTTGCAGAAGCCGATGCAATTTAGCAAATCGACTTCTAGCAGGCTATCT  
TGCTCACGAGTTTCTCAGCAACGGCACTTTGTTTGGGGAGAAGTATGAAACGGCTCANACCGAAGCTGTTGG  
AATGGCTAACTTGCAGTCAGCTGAGTGTAAGAGGACAAAGCCGGAAGCTGCCGCAGCGGGCATAAAAAAATT  
AAATCATAGCTACGCTGAGGTGGCAAGCATCTTGAAGATGGATGGAGCCCATTTGCCTGGAATGTTAACCCG

GGCCAGCTCGCTTGGTGGATTAAATGGTAGTGTCAACGTGGTGTCTTTTGATTGGTACATATTTTACTTTGGA  
GTTTACGTTGAAATCTCCCATATCTCAAAACACAAGAAAAGTGGAGTGGTCT

>trans\_c\_2550 AB201544|Nicotiana benthamiana NbNACa1 mRNA for alpha chain of nascent  
polypeptide associated complex, complete cds

AGAATCAATCTTTGTGATTTTCTTCTGCTCATCTCTATCGCCATGACTGCTCAGACTAAGGAAGAGCTTCTCGCC  
GCTCAGCTTGAGGAGCAAAAGATTAATGCTGATGAACCTGTAATTGAGGATGACGACGACGACGAAGATGAT  
GACGAAGATGATGACAAGGATGAGGATGATGTTGAAGGACATGGAGAGGCCAGTGGTAGGTCTAAGCAAA  
GCAGAAAGTGAGAAAAAGAGTCGTAAAGCAATGCTGAAGCTTGAAGCCTATCCCTGGTGTGACGCCGTG  
TCACAGTCAAGAAGAGCAAAAATATTCTTTTTGTCAATTCGAAACCAGATGTTTTCAAGAGTCCCACTTCCGAT  
ACCTACATTGTTTTTGGCGAAGCGAAGATTGAAGATTTGAGCTCCCAGCTACAGACCCAAGCTGCGGAGCAGT  
TTAAGGCTCCTAATTTGAGTAACTTGACATCAAAGCCCGAACCATCAACCGTGGTTCAAGATGATGAAGAAGT  
CGATGAGACTGGGGTTGAACCCAAGGACATTGAAGTGGTGATGACTCAAGCTGGTGTATCAAGACCAAAGGC  
CGTGAAAGCACTCAAAGCAACTGAGGGTGATATCGTATCGGCTATAATGGAACCTACAAATTAACATGAAGTA  
TTATGAGGATGTTTTAATAGGGAGTGTTGGAATCTTTTTGCCTTGCTTTCCCATATGTTTTACCTGCAGAATT  
TGAAGTTGAGAGATTGAATGGTCTTTTGTAACCTTTTCGTATTAGTTCTTATATTTCAATTGTGCTGATTATTA  
GCCACAATTTAAGGCTTGCGGTGGGTCTAATATTAATGTGTCTTATTAGATTATGGGTTTGATTTTATCAGTT  
GTGTTGAGGATGATGGCTTTTCCCGGTTATTTATCATCCAGGGAAATTATA

>trans\_c\_2551 AY105627|Zea mays PCO089890 mRNA sequence

AGGAGAGTCAGTGTAGTCATCCCTTTGTTTCTCATTTTACAAACCCAACCCATAAACACACCTCTTTCTTTCTCTC  
TCTTTCTCTCTCTCTCTTTCTCTCTCTGCGGTGTTGGAGAGCGCTAAAATGTCCACCTTCGACGCCTACAGTATG  
GACGGTGAAGACAGCTATGGCGTTACGGATCCTACCAATTTCTCCGGCGCCTTCCCCGAGACGCCGATG  
TGACCGTCGAGCATACTCCTGCCTCGCCGGACGTCTTTGGATTGACGATCCCAGCCCTAACTACTCTCAGGCT  
CCTTTTGATCCGATTGATGATGAGAATGGAATGGAACGGCTATGGTGCGGCTGAGGATGAAGTCGGCGAT  
GGTGTGTTGATATCCGATGGTCCAATTCTTCCCCCTCTAGCGAGATGGGCGTGAGGAAGGCTATGCTCTTC  
GTGAATGGCGTCGCCAAACGCCATTGAGCTTGAAGAGAAGGAGAAAAGGGAGAAAGAATTGAGAATTAAA  
ATTATTGAAGAAGCTGAGGAGTATAAAATAGGTTTCTATGAGAAAAGAAAGCTTAATGTTGAGAGTAACAAG  
GTTAACAACAGAGAAAGAGAGAAGTTATATTTGGCAAATCAGGAGAAATTCATAAAGAGGCCGATAAACAA  
TACTGGAAAGCAATTGCAGAACTAATCCCAACGAAGTTCCTAATATTGAGAAAAAGAGAGGAAAGAAGGAT  
CAAGAAAAGAAACCATCGATACTAGTTGTTGAGGTCCAAAGCCTGGGAAACCCACTGATCTTTCAAGAATGC  
GGCAAATTCTCGTGAAATTGAAGCACACACCCCCACCTCATATGAAACCACCACCACCCCCACCTGCCAAGGAT  
GCCAAGGATGCCAAAGATGGCAAAGACGCTAAAGATGGAAGGATGCCAAAAAT

>trans\_c\_2552 NM\_001058879|Oryza sativa Japonica Group Os04g0271200 (Os04g0271200)  
mRNA, complete cds

AACCAAAATGGGTTGCCCAACAAAATAACGTAACCTAACTATAATACACAATTGATTTTAATTATTTGAAAATCA  
CATTTCTAAAATCAAATATTCAGAGTCAACTTTAATTATATGAAGTCCACATTTGTGACATTGGATTTTTGTCAA  
CTCTTAGGCGTCTCTACCTCACCATTACAAATTGGACTCTCTTCTTCGGATGGGTTCAAGTCTTCTATTTCTGTAT  
CAAGCAATTGAAGGAATCTGGTCACCAACAGGTCTACAATGCCGTTGAACGCCCTCTTCAGTTTTCCCAAACCG  
CCGCTGTTTTAGAGATTCTCCATGGCCTCGTTGGTCTTGTGAGATCCCCTGTAACAGCAACATTACCACAGATT  
GGTTCAAGATTGTATGTGACTTGGGGCATCTTATGGAGTTTCCCCGAGGTGAGAAATCATATACTCGTTACCTC  
CTTGTTGTGAGCTGGTCCATCACAGAGATTATCCGCTATGCATTTTATGGCATGAAGGAGACGTTTGGTTTTG  
CACCGTCGTTGCTTCTATGGCTAAGGTATAGCACATTCCTATTGTTGTATGTAACCTGGTATCAGTAGTGAAGTT

GGTCTGATCTATCTGGCTCTTCCTTACATGAAGGAATCTGGGAAGTATTCATATAGGATGCCAAACAAATGGA  
ACTTCTCGTTTCGATTACTTCTATGCAGCGATACTTGTCTTGAATCTATGCACCAGGAAGTCCTCATATGTATA  
GCTACATGCTTGTTTCAGAGATCAAAAGCTCTCTCAAAATCCAAAAAGAGTAGAAAGAACCAAGGCTAATGTT  
ATCCTATTCACTTTTTCTCAACAGTGTACTTTTGAATATTTATCTCTGATTTTTTAATTTTTTATTTTCATAATCTTT  
TTCAGGACTAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAA

>trans\_c\_2553 AY081257|Arabidopsis thaliana glutaredoxin-like protein (At5g63030) mRNA,  
complete cds

GGCATTGAAGATATCCGGCGTTTCGGACGGCCGTGAAAGCTTATTCCTTTACTTTTTCAGTAAATGAATTCGACA  
TAAAAGATTCTGTTTCTTTAGACCTTCAAATTCTTCTCTCCATTTCAAATTCAGAATCATTTCTTCATAGCAAAG  
ACTCCTTGAAACTCTCTTGTTAAGCGAGATCATGGGGTCTGGTTCAGCTCAAACAAATTCAGTAAAGAAGAG  
TTGGAGGTAGCTCTTAACGAAGTCAAGAAGATAATCTCCACTGACCCTGTTGTTGTTTTAGTAAAGACTTATTG  
TGGGTTTTGCTCGAGTGTCAAGAAGCTGCTCACACAGCTTGGAGCTAGGTATAAGGTCATCGAATTGAACCAA  
GAAAGTAATGGAGATAAAATTCAGTCAGCTTTAGCAGAGTGGACTGGCCAAACCACGGTACCTAATGTGTTTA  
TTGGAGGAAAGCACATCGGTGGTTGCGATGCGGTTACCGAGAAGCATCACAGAGGTCAGCTAGTGCCACTTC  
TACTGAGGCTGGTGCCATTGCCGGTAACTCTGCTCCGCTGTAGCTTTTGTTCACTGCTTACAATCTAGGGAT  
GAAGCAAATGTATGTCGATGGATATGAGGTGTGTACAAAACAGTTGTGAAAATGGCTTAACGTAGCCTTTTAA  
GTTACCTAAAATAAAACGTGGAAGCTGAAGAAATCTATGGCTATGGTTGAATTCCTGCATAGATAAAATATTTG  
GAACACAATGATGGATTGTTTCTACTTGGTTCTGCTTGCTTTACGGCTACCACATTACAGTTAGCTTAACTACAA  
GCGTTGATCAAGGGGTTAAAGAGACAAAGTAATTTGTTTTGGTTCATGAATTCGAAACTTGTAGTAATCTAATT  
GCTAAGGTTAAGTTTGTCTATTGAAAGAGCAGAGATAGTGTCTATAA

>trans\_c\_2554 NM\_001064370|Oryza sativa Japonica Group Os06g0550800 (Os06g0550800)  
mRNA, complete cds

AACCAAATTAACCAAATCACAAAACATTCATAGACACACCTCTGTTTTAGCCGCCATTGATGGACTTCGAGCA  
ACTTCTCAATCTCTTCGATTCATTCTGGTTCGAGCGTGGAGTCTTCAACAAACATCCTTTTCTATCAAACCTACA  
ACCTCAAATTCAGATCCCGATTCAATACCCAAGGAATCATTCATCATCCACGGCTTCCAACGAGATCGATAA  
GTGAAGATTTAAGCTCAAAATTAAGCTTTATGTCCAGTTCCAATTCACCCGATTCAGTTCTCTTTCTCAAAGC  
TTCAAACCATCTTTTCAGCAAGGACATCGCCGGAGCAGAGTCGCCGGAGACAAGCCGTAAGTTGGAAATTG  
AGCGTAGGCCAAAAACAGAGTACAGGAGGAGGTTTAGAGGAAGAAGAACGAGACGGTCGGAAAGTCGGAG  
CCTTTCAGAGCTGGAATTCGAGGAGTTAAAGGGTTTATGGATTGTTGTTTCTCGGAAGAGGATAAA  
GGTTCGAGCTTGGCGTCGATAGTTCCCGGATTGAACAGGCTAGGGAAAAAGGAAGAGAAAGAAAGTAAAGA  
AGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAGAAATTTGGGTGGTGAAATTTAGAGGCCTTATCTTTCAGAAG  
CTTGGGAAGCTATGGAGGAAGAAGAAGAAAAAGAGGAGTTGGCGAAGAAACCATTGATGATGAAATGGAG  
GTTTCTTCTAATCAGATTGATATGAAAGATAATCTAAATGGTGGGCTCATGCTGTTGCTTCTACTGTCAGAT  
GACATTACTCGAATGCAATTGTTCTTCTTTTTGTAAATTTGTTTTTGTGTTTGTGTTAGTTGAATTGGAAA  
TTTTCGGAGCTGTTTCTTAAATTTGATCTGATATCAATGTTTGGGGAATATGAA

>trans\_c\_2555 NM\_179286|Arabidopsis thaliana structural constituent of ribosome (AT1G08845)  
mRNA, complete cds

ATGTGTATGCTATGTCGCAGCCGCACATCACCACCAACACTCAGTCAGCTTTCTTCTTCTACCTCACTCCCTCC  
AGCAGTTCCACAAAAAGGTTTCGCTTCCAATCGTTTTGGGTTCTTAGTCATATTTGTTTAATCCATTTCAAACGC  
AATAGATGGTTTCAAATCCATTCTGATTTGAAATCCTTACAAGTCCATCGGTTCCAAACAGAGGGTTTTGTCGC  
AGAAATTTGTTTCGCCTTTTGAATTCCTTCATTTGTGTTCTGTTGGGTGCTCATAGGAGCTGAAATCAGGTTCT



TTAGATACAGAAGAGCAAAGGGGGGTTGAGTTGGCCAGTAGAAGGAAAAGATGTTGAAACACTTTCTTGGAAATATGGGGAAACATGTGGTTTGTGCATGTGAAGTGAACAGGTTTCAGGCCTTATTTGCTCGTGCCAACAAGTGACTTTCATAAACGGGAGGTTTCATTGTGCACCCAGAAGTTTCTTTGGTGTAGAGGACTTCTTAGATGATGATAATAGTCGGCCCTATACATACCAGAAAGCGAAAAAATCCAAGAATCCGAAAAAGCACATCTCATTTAAGCAACGGACCTTAGCTTACATGGAACCATTTACACTTGACGTGTTTCATCTCAAAGCGGTTTCGTTTCAGCATCACTTACACACAGGGTGACTTGCAAACAAGTTGCTGTTGCAGGTACCAACTCAAAGATATCAAAGCTGTTCTTCAGTCTCGTTAGATATACCTGCTTGTGTTGGCCGTTGGCCGATTTTAGCTGAGAGGGCTAGAGAAGCCGATGTTTATACCGCTAGTTATACTCCTAGAGAGAGGGACAAATTTGAAGGCAAATAAGAGCTGTGGGTCAATCTCTTATTGATAATGGGATTGATGTTAAAAATTATCTTGAATGAAAAACATCTTATATAG

>trans\_c\_2556 NM\_105339|Arabidopsis thaliana AR401 (AR401) mRNA, complete cds

CAAATTTGACGGCTTTATCGCTAGATCGATCCCACCCTCCGCTGTGATCGGCTCCGTGTCGTACCAACCAAGGTCTTCCGATTCAACTCCACTACTCAGATTCCTTCTAGGGTTTCTTTTTTCTTCCATTTCTCCGATTATGGCTGCGTTTCGTTTGACGCCAGAAGATGCCGAGTTGTTGCAGCAGGCTCGGGCTGCTCCGTCCGCCGCTGATCTAGTCTGACGATGACCGCTCAGTGGCCGCTGACTCATGGTCCATCAAGAGCGAGTATGGTAGCACCCCTCGACGATGACCAACGTAATGCTGATGCTGCTGAGGCTCTATCTGCTGGGAATTTGCGTCCTGCTTCTGATTACAGTTCTGACAAGGATGAGATGGAGCCAGATGCTGAAGCTGTGACATCAATGCTAGGTCTCCAAAGTTATTGGGATTCTCAATATGCTGATGAATTGACAAATTTTCGTGAACATGGTCATGTTGGTGAAGTCTGGTTCGGATCTGGAGTTATGGAACTGTTGCTTCTTGGACAAAGAGCTTGTTATGATGTTTCTCAAGGTCGGTTTCCGAATCAAGCTGGCAATGTTAAGACACTGAATGTTGATCAGGGATCCATATTCTTGTCTAGTTGGAGGGTACTTGATATTGGGACGGGAAATGGTTTGCTACTTCAAGAACTTGCTAAGGAAGGATTCTCAATTTGACAGGAACTGATTATAGTGAAGGGGCAATAGATCTTGCTAGAAGCCTTGCAAGAGCGAGATGGTTTTCCATATAAATTTTTTGGTATGACTTGGCTCGAGGTATTTTCGATTACCGTACTTATTTCTTTCAAAATCTTTGTAAATCTCTCTCTATCTCTGTCTATTTTTTCCATAAAAAGAAACGGAACCTTTCTATTGCTGAAATGAAAAGAGACTA

>trans\_c\_2557 AY037225|Arabidopsis thaliana At2g41760/T11A7.14 mRNA, complete cds

ACAAAAATGGGTTTAGGACCAGATATCTAAGGAACTCAACTAGCCGATTAGATTAAGCCATGGCTTCAAAAACATCAACTGTAGAATCGAGTGATTTGGATGTTTCTCAGTTCCGTCATACTCCTTCTACTGTGAGGAGAATGTTATTTTCTATGCAAGAAATTATGTACAAACAGATTGGCTGATGCAGGGGGAGCTGATCTTTTTGTTGTTTTCATTCTAATGAGAAAAAGCAGACTCCCCTTTGGCATCAGAAAGCCAGCAAAGAGCAGATGGTCTTGTTTTGTGGGATTACCATGTCATTTGCATTGAGAGAAAGATAGAAGGTGAATTTCTTTTTTAGTGTGGGATTTAGACTCAACTCTTCTTTACCTCTCCCTCTGGGTAGCTATGTGTCACAAGCTATCAGGCCGTCATTTCAAATCTCCCCTGAGTATCAAAGGCTTTTCAGAAATCATTCATGCTCCAATACTTTTTCGTCACTTTCATCTGATAGAAGGCACATGAAAGATTCCAATGGAAATTGGATGGCTAAACCTCCTGACTATGAAGCCATTGTTGCCGAAGACGGAACATGCACAACCTATATGAGTATATAGAAATCAAGACAGACGATGTTTATTGAACAAGACCATTGATGTGAAAGATGCAGTTTTTCTCGAAAACCTGGAGCAGTTGCAAATGATTTAGAGGAGTTTTTCACTCAAATCTTTAAATAGGATCGAGAAAATTCTGTTCTTGTTGTACATGCCGATGCTTACCGAAGAGCTACTTGATCGGGAGCCTGTTTGAAGTGATTTTAAATAGATAAAACGTTTTGTCATGGTTTAAATTCATTTTGAAGAAAGTAAATTAACCTTGTTGGTATAGTTAAAAATCTTTTTTACCAAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2558 HQ448853|Nicotiana tabacum nicotinamidase (T-nic1) mRNA, complete cds

TATTTTTCTAAAAAAGAGCATTTCGTGAAGACTACACATTTCCATCGCCTCTTCTTCTTCTCGCTCAAATCACCCATTCGCCGGTAAATTGCCGTATATCGGAGGGGCCACCACCGACTCACTCCGCCGCTATGGAAAACCCCAATCAAAGCCCCGCCGCCGCACTTCCACCGACGCAATCTCTTCATCATACAAAAAATACGAGATCCGCCACAGACTT

>trans\_c\_2559 CP001333|Micromonas sp. RCC299 chromosome 15, complete sequence

>trans\_c\_2560 FN552008|Medicago sativa subsp. varia mRNA for NAP-related protein (nrp gene)

>trans c 2561 AY045639|Arabidopsis thaliana At1g64150/F22C12 10 mRNA, complete cds

AGAAAGATAAAGTGCAGTTGAGAGTGTTTGGCGCTCCACACTGAGTGGTGGTTGCTCCTTCTTCTTCTTCT  
TCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCATCCTGGACTCGCATTTCTCCAGTCCTTTTGAACACTGAAGGATTGTTCA

GAGCAACAACAGGGAGGGGATTGAAGAATAATGCCAGCCACAACCTCTTTCACACTTCGCATTTTCATTACCTT  
TACTTTCTTCATCTCCTAAATTCATTCCCACCTTGTTTGGTTTCTCCTAACTCTCCTTGCCGGAACCTTCTCGCTTCAT  
GATTCTGCTCCCCTTCTTTTCAGGTTTTCAAGTTGCTGCCGGACAGCAACTACCAAACAGTGGTTTTGGCGCAA  
AACAGAAGTGGTTTCAAATATTACGATCACCAAGTTCATTTTCATGCATACTCGTCCATTGAGATAAATTGTCT  
TCCAGGAACTTTGTCATCATCACTACAGTAGCCGTGAGTTATCTACAAAATCAATAACTATTCTGGATAATTGT  
CGTGACCTGAAAAGCCATTAGCAAAGTACAGCTCAGCGGAGGGCATTAAATGAAAATACAGATAACCAAAAA  
TCTAGCAGTTTATTAGCAGTTCATTTTTGAACTTATGCTCCTGTCTGGGTTCTTCATACTTCAAGACTCTCAG  
CATGCATTAGCTGGTTCAGACGATGTTGCTACTGGGTTGCAGTCAGTTCCACTTCTGGGAGACCTTGGTGATA  
TTAGCACAGGCGTTTTTGCTAATCTTTTTCTCAGAACTAGGGGACAAGACCTTTTTTCATTGCAGCTCTTCTAGCA  
GCTAGGAACTCTGCTGCTACTGTTTTACTGGAACTTTTGGTGCATTGCGTATGTAATTTACCATATGCCG  
AGCATGTATTTTTTCTTTCATTGCGACACCCCATGGA

>trans\_c\_2562 AY049250|Arabidopsis thaliana AT3g09470/F11F8\_4 mRNA, complete cds

ATCAGACAAACACAAAATTTTCGAGCTCGGTCCACCTTAAGTTAATCGAAACTGTAGCCCTTTTGATTGTCTTCA  
CTTTCAGCCGGCGATTCTTCAACTTTGACTTCACTCCATTTGGGTTTTCTCTTCCCCCTTTTTAAGCGTTTCTAC  
GACTGGATCGGCTTGAACGCCGACACGCCATGGATTCTGTTGACGAAGAGGCGCGATTGCTTGTTAATGAC  
GCGCCAATTTAGCTCCAGTGAATTATACGAGAGACGTTTCATGTTTTGAGCTTTGCTTTTCTGTAAATTTTCTC  
GCTTATGGAGCTGCACAGAACTTGGAGAGTACTGTTAATACTGAGAAGGATTTGGGGACTACTTCGCTGGGG  
ATATTGTATTTATCTTTCACATTTTTCTCTGCGCGCTTCTTGGTGGTTCGAGCATTGGGGACTAAGAACGCT  
TTGATTCTTGGGACTACTGGTTATTGGTTGTTTCACAGCCGCAAATTTGAAGCCGACTTGGTTCACAATGGTTCC  
AGCTTCTCTTACCTTGGTTTTGCTGCTTCTATAATATGGGTTGCGCAGGGTACATATCTCACTTCAACTGCACG  
TAATCATGCAAGAAAGAATGGCTTACATGAAGGAACTGTCATTGGAACTTCAATGGAGAATTTTGGGGAGT  
ATTTGCAAGTCACCAGGTCATTGGAAATATTATTTCCCTCGTTGTGCTGAAAGACGAAGCAGGTGGAAGTACC  
AATGGCACAACGTATTGTTCTTATCTTCTTTCGCTTGTGACCTTAGGTATCGTACTTATGTGGTCTTAAAGA  
AAGGAAGACAGTAAAGAAGAAGAACCATCGCTCTCCTCATCCAGCCTACGTTCTTCTATATTGTCTCTGTCAAA  
ATCGGGTAGTGCTCCATTGGCTGACAGAAGAATGATTTTGAC

>trans\_c\_2563 XM\_002876027|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinesin motor family protein, mRNA

AATCATCCCCTGCAGAAGAAGATAGTAAGTCTAATAACTTCAGTCCTTTCTATGTAATCCTATCCCCGGAGAAA  
CCTTCTCCATGGAATATGGACAAAGATATCTGTAACCTCTGGACGATTAAGCCTAACTAGGAGTAGAAGTTGTA  
AAGCCACTATTATGAGAACCTTATCTTCGGAGAATATCAAGGAATTCAGAGCACACCACCAATTTGGCTTGG  
AAAAGACTTCGTAGGGAGACCTGAGGGCTTCCAAGTAAATCTTCATACATTGAAATATGATGCTGAGTCTGAG  
AGGTCATCACTAACTCGTTCTCAAACCTCCCTGAAGAGTGCTTCCAAAGATGCGCATATTGAACAGAATTTTGA  
TGTGTTGGAAGATGACAAAAGTGATGTGACTACTTCAGCTACAGAACTAGAACATGACCGGCTATCCAACCTT  
GAGGGAGAAAATCAACTTCTTGGTGCAACAAAGCAGATATCCAATCTTAACAGTGAAAATCATCTTCTTGATG  
CAGCGGTGCTTGAGGCTAAGCCAAATCCCATTGAATCCGAGAAGAATGTGGAAGATATTGGCGTGGATCCAA  
TCCATAATAACAACATGATGATAAGTCCTTCAAATGGCCTTCGGAATTTAGAAGACTTCAAAAAGACATCATT  
GAACTGTGGCATATTTGTAACTCTCATTGGTGCATAGGACCTACTTTTTCTTCTATTTCAAGGTGGCGATCC  
AGCTGATTCCATTTACTTGGAGGTTGAATTGAGAAGACTATCCTTTCTTAAAGACACATTTGGTCGAGGAAATC  
CTACTGTCAGAAACGGTGAAACATTGACACAAGCATTGAGTTTGAAATCGCTTACCAGGGAGAGACAAATGTT  
TGTGCAGCAAATGGAGAAGAGACTCACAAAGAAAACAAGAGAGAGCCTA

>trans\_c\_2564 AY297793|Citrus sinensis dehydrin (DHN) mRNA, complete cds

AACTTACCTAAGCCCCATTACATAATACACAAACCAGCTTATTCATTCTAACCAGCTCACTACTTAACTGCCAA  
ATATCTCTCTGTTTTTAGTGATCCATCTTGTGAAGTAGTTTATTTCATACCCATGGCGGATTGCGAGAACAAGA  
AGGTCGAGGAGGGAGTTCAAGAGGGTGGTGTGCGAGGCCACAGATCGTGGGCTGTTTGATTTCTTGGGGAAG  
AAGAAAGAGGAAGAGCAGGCCGAGAAGCCCCCTGTTTCTGAGGAAGAGGTGGTTGTAGTTACTGAGCAGTT  
CGAGAAAGTTGAAGTTTCTGAACCTTCACCGCCGGTTCATAAGTTGAAGTAGAAGAAGAAGAAGAAGAGAA  
GAAGCCTAGTCTCTTGGAGAACTCACCCGATCCGATAGCAGCTCTAGCTCGTCTAGCGATGAGGAGGAAGG  
AGAAGACGGAGAGAAGAAAAAGAAGAAGAAGAGGATTAAGAAAAAGTTGAAGGAGAAGCTAGGAGG  
AGGAGAAGAGGAAAAGAAGGAAGAAGAAGCTAAAAAGGACGAACACGAAGCAGTAGCCATCCCAGTGAGG  
AAGGTGGACGACGCAGCACATCCAGAGGAAAAGAAAGGGTTCCTAGAGAAGATCAAGGAGAAGCTTCCAGG  
GCACAGCAAGAAACCAGAGGAAGCTCCAGAAGCGCCCGCCCGTGCGCCACCGAGGCTGCAGCTCCTCCTCC  
TCATCACGATGAAGATCAAGGAAAAGAAAAGAAGGGATTTTTGGAGAAAATAAAGGAGAAAACCTCCAGGGT  
ATCACGCTAAGGAGGATCAAGAGAAGCATAAGGAGGAGGCAGCTTCTCATTGAAGATGATGATGATATGATA  
TCATACTCCATAATGGTTTAGATCAAGATCATAAATCATCATCATCATTGTGGCCTGGAGTCTTGATTA

>trans\_c\_2565 NM\_128950|Arabidopsis thaliana iqd9 (IQ-domain 9); calmodulin binding (iqd9)  
mRNA, complete cds

TTCATCTTTACTACTACGACTTCACAAAGCTGGACCAGTTGTGCGACTGCCCTTCTCTTTCAAATTGGAATGGCT  
ATGCTTTAGAAGTTTAGAACTGTTTCTTCATTGATTTCTTCTCCAGCCTTTTCCTTTCTCTGCTTGTTAGGATAC  
AAGCACTTCGTTTAAAGATGGGTTCTGGACGTTGGTTTAAGGCAGTAATTCGTTAAAAAAGTGAAAACCAG  
CAGTTCGAAACAACTAAGGAGAAATTGGATGATTTGCAAAAAGATTCCCAAGGTTTAAAAATGATGGTGTCT  
AATGGGAAGAGTAAGTCTTTTGGGATGCCGATTGAAGATGTAGCTGCAGTTCGAATTCAGACAGCATACCGA  
GCATATCGTGCCAGGAAAAATTTACGTCTCTTGAAAGGGGCCTTCAGACTGCAGAATCTGACTCAAGGTCATT  
CCGTTAGAAAGCATGCTACATCTACACTAGGTTATCTTCATTCATGGAGCCATATACAGGCTCAAATTAGGGCT  
CGTCGACTTTGTATGGTGACAGAAGGACGACACAGACAAAAAAGATTACAAAATCAACGAAAACCTGAAGCT  
AACCTTCATGATATAGAGGTGGAGTGGTGTGGGGGTGCAGACTCCATGGACGGGATTCTTCAAGGATACAT  
GATAGAGAAGAAGCAGCTGTAAAGCGCAGCGTGCTTTGGCATATGCATTCTCACATCAGTGGAGAGCAAAC  
TCTAATGAGATGTATGGGTTGGGTAAAGATGAACTTGGTAAAGCCGATTGGGGTTGGAGCTGGAAAGAACG  
ATGGATAGCTGCTCGTCCATGGGAAAGCCGTGTACCATCTCAGTTTGTTAGTCCAAAGAAATCTACAATCAGA  
CAATCAAGCAAAGTCAGTAAGAGAACTCACCATCCCCTAAAGCACGAGGTC

>trans\_c\_2566 AB108499|Lithospermum erythrorhizon mRNA for LEDI-5c protein, complete cds

TTGCTCAGTGGCCAGTGCGCTCTGGCCTCCGTGCGGGAGCAAATGTATAATTATGTCTATTTTGTTCATTGTT  
GTCTGAAATTTATAAATACCCAAAGGAAGAGCAACACACAAAGAAAGGAGCAAAGTTAAAGCAATAGAAATG  
GCTGACAACAACAATGGTGCCTGCTCAAACCCCTACCATTCTGATCTCCTCACTCCTTACAAGATGGGGAA  
GTTCAATCTTTCTCACAGAATCGTACTGGCTCCATTGACAAGGCAGAGATCTTACAACAATGTTTCTCAGCAAC  
ATGCCATCTTGATTACTCCAGAGGGCTACCAAAGGGGGTTTCTTAATAGCTGAGGCCACCGGAGTTTCTGA  
CACTGCTCAAGGGTATCCTGATACACCTGGGATATGGACAAAGGAGCAAGTTGAAGCTTGGAAACCAATTGT  
GGATGCTGTTTCATCGCAAAGGTGGAACATTCTTTTGTGAGATATGGCATGTAGGGAGGGTTTCAAATTCAGGT  
TTTCAACCAAATGGACAAGCCCCAATCTCATCATCAGACAAGCCATTGTTCCCGCAAGTTAGATCCAACGGAAT  
TGATGTTGCACAGTTTACCCCTCCGATACGTTTAAGGACAGATGAAATCCCTCAAATTGTCAATGATTTTAGGC  
TTGCGGCTAGAAATGCCATTGAAGCTGGTTTTGATGGAGTTGAAATCCATGGAGCTCATGGCTACCTTATTGA  
ACAGTTTATGAAGGATCAAGTGAATGACCGAACAGACCAATATGGAGGGTCTCTTGAAAACCGTTGTAGATTT  
GCTTTAGAGGTAGTTGAAGCTGTTGTAAATGAGATAGGTGGAGACAGAGTGGGGATAAGACTATCGCCGTTT  
GCGGATTCATGGAGGCTGGAGATTCCGATCCAAAAGCTTTGGGAGTTTAC

>trans\_c\_2567 NM\_001062038|Oryza sativa Japonica Group Os05g0404400 (Os05g0404400)  
mRNA, complete cds

ATGAATATTAGAGTTAAGTTTGGTGGTGTCTGTGCCACTGGTCGTGCGGCCAGGTTTCCCTTCTGGCTTGCAATT  
TCTTATCCAAAACCAAAGCAATGAACACTCTAATCCCCACTTCTCCTTGCAACTTCTGCTATATTCCAAGCTTCTT  
TTCCACACAACCGCCTTTTCCCTAAAGCTTTCGCCATAAAATTCAGCCACAGATTGCGCGCCAATTCCAACCA  
CCTACAAACCCAGGCAATAGAGGAACCGAAAGAAGAAGAAAATGGGATAGCAGCTGAACCCCAGCAGCTAA  
CCAAGGCGTCCTCTGCTCCTGCACTCGATAAAGACCTCAAGAAGGTTGTTCAAAAGACTGCTGCAACATTTGC  
ACCAAGGGCCTCTACTGCCTCAAAAAATCCTGCTGTACCTGGAACACTTTTATATACTGTCTTTGAGGTTCAAG  
GCTATGCCTCAATGTTGTTAGGCGGTGTTCTATCTTTCAATCTTTTATTCCCCTCAAACGAACCAGATATATGGA  
GATTAATGGGAATGTGGTCAATTTGGATGTTACAATACCTTCGCTCCGAGCACGGGACTGCTCAAAAAATGA  
GAAAGAAGCTCTCAACTATCTGTTTCTCCTCATCCCATTACTCAACGTTATAATTCCATTTTTCTTGAAGTCTTTT  
GCAGTCGTCTGGTCGGCGGATACCATTCGCTTCTTTGGCATGTATGCTTGGAAGTTGGGATGTTTTAGAGAA  
GAGACTTGGACCTAGAATAATCAAATCAAGATTTTCGGATTGGAGTCGAAACTGTAAAAAGAATTCTAATGTA  
TAAAAGGTACAGTAATTATTTGAGTTCCTATGGAAGGTAGTAATATATTGTTGATATCCCTCAATTTCAAATTTA  
TGCCTGCATTTTTTGTATTTGTTATAGAGCTCAATCAAACCT

>trans\_c\_2568 DQ784686|Capsicum annuum cultivar Hanbyul pectin methylesterase inhibitor  
protein 1 (PMEI1) gene, complete cds

GGGGCCAGGACATAAAATCAAAATCCAAATATAATACATACATGCTCCTTGCAATTAATAATGCAAAAGTAAC  
TCCAATCCCCACACGTAAACACTACTTAAACCTATATATTACCAATTATAAAATAATACTATGACAAAAACTCCA  
CCCTCTAACCTAAATATCATACTTACAATTGCAACTTTCAAATCTCACACACCAATAAAATATAGTACACACAAA  
TTCACCTACCATCGTCATATTTTGGAGACAGGTGGTGCCTTCAAGATACAGCTAATGCAAAATCAGCGATCCGAT  
TAATCAAAGACAGAGCATTACTAGTCAATTGCGCAATGTTGACAATCCTACTCCTAACCGCAGCCTTAACGCCT  
CCCTTCACCGTCTTCCCTTAAACCTTCGCTACACGTGGTTTCATCGGTCAGAGCGGCGCTAACCCATGTCTG  
AACATTATCTGCTGCGAGCTCGAAATTGCTGCCACGGAGCTTCGGCATCTCGGAAATGGAAGCAGCGAGGGA  
GTCGACAGAGTCACTCAGTTCTTCCAAACAGTCGTTAAGAGCAGACACATCTCTGGAGGAGAGGCCATGGGA  
GTGAGAAAAGCTTGAGGATTTGAGTGGTGGTGGACTTGACGGAGGAGAGGGAAACGGAGAGAGCGGCGGTG  
GCCAAAAGGCGGGGACTTGTGGATGGCATTGGCATGGACTGAAAGAGATGAAAAACAGAGACGAGGGGTA  
AGTGGTGGAACTGCAAGAGCTTTTTATGAACTCTGTGCTGCTTTGTGGAGTTATGGCTGAATGAATCAGAGTT  
AATTGGAGAATTAATTGAAAAAAATGATACTTTTCTTGGAAATTTGAGATACCCATCTCTGTTTTCTTTGTTTT  
TTTTTTTTTTTTATGTAAATGGAAGGAATTTAGAAAGAAGGAGAAGTGAT

>trans\_c\_2569 AY062557|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g13760; MXE10.3) mRNA,  
complete cds

CTTGTGCTCATTGTTGTCTTCACGTCATGAACTCGATCTTTCGACGCGGTAATAGTTGGGCTTTTGTGCAGATA  
GCTTCATATGAAAAAGATTCGTGCGAGCATCAAGATACTTGGAAGCTCTTCGAGATGACCGATATGGTAC  
AGATTGTTGACTCGGATATAACAAGCTCAATTTGCTTCCTCACCGGAGTTTGTAGTGGCTGTATTTGTGTCATT  
GTTATAGCTAGCTGGACTTTCACAGTTCATCGTGGCTTCACGGCTACTATTCCTTGCTAAGCTTCATAATTGGA  
TACCTAATGACAAGGATTGCAATGGCACTGCCCCATGCTTGTGTGAGTTGTTATTACGTATGTTATGCCAAAAA  
TCCTGAGAACCGACTCTTCGACGATACTATCAAGGATCGTCAAGCCTTACTAAAGTCTAACCGAGATGTAGTC  
ATGACGCCCCGAATGCCACGCAGAAGCAGGACATGATCATTCTCATTGAAGCTAACTTATTTCTGACCCCCAAA  
ATGCTGCATTCAGAATAAACTTGAAACACTACTACTCCCTCCAGCTTAAAAGGCCATTGTTTCAAATTGTAAA  
TATGCATTTTGATCTTGGAAGGTCAAATTTTTGTATTGTTATTAGATGCTCTTTTGGCCATTGGAAGAAAAGA  
GAAATGGATGGATTATAAGGGAATATCACATGCTATCCAAAAGGGAATATCAGAGAGGGGAAAAATAAATTGCG

ACATAAGCATTTGGGATATCCCATAGCATAAAAGTAGGGCCCATCGCTTTGTATTGTTAGGTAAGAACCCACC  
ATTGTTTTATTATGGTAAGTGTAGTGTCTATGTGTACAATATTTGGTTGAGTACTTCTAATAAATTGAGTCT  
TAAATGGATATTATCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2570 XM\_002874231|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata rhomboid family protein, mRNA

ATTTGTCCAATTGGCTTATCGCTCTCAAATCCCAATGCAGTTTCAGTTGCAGCAGCTGCAGCTTCATGGAGGC  
CGAATTTGAAACCTCCAACACTAAGCAACAACCAATGCCTTTAACTTCCATTTCTTTCAATCCAGCTTCACC  
TTAACCTCACTCAGATTTCCCTCTCCATTCTTCCATTCCCTTCCCAATTTACCCATGTTCTTCTCTCCACTCGCG  
TTCCTTTTGTATGAAACCCATCGCGACCTGCAAGATGAACGATGCAGATTTGATATCACAGTTGGAGCTTGGA  
AAACCACTGCAGAATCGGAAAACGGAGAAGCGTGTTAATGGTATATTCTGGATTATTCTTCTCAACATTGGAA  
TATATGTGGCTGATCACATTTTTCAGGTTTCGTAATATAGGAGCTTTGTACCTGTATCACAATCGTCCCGCTTGGT  
ATCAATTTTTTACAGCAACATTTTGTACGCTAATTGGAACCATCTCTCTAGCAATCTTTTTTCTTGATATATT  
TGGGAAAACCTGTTGAAGAAGAGGAAGGAACTTTGCTTTGTGGCTTTCCTATATTCTTACTGGTGTAGGTGCA  
AACGTTGTCTCATGGCTAATTTTACCAAGAAATGCTGTTTCAGTTGGAGCTTCTGGTGCTGTTTTTGGTTTGGTT  
ACCATAAGTGTCTTGTAAAGATGTCATGGGATTGGAGGAAGATACTTGAAGTCCTTATACTTGGTCAATTCGT  
TATAGAGAAGGTCATGGAAGCAGCTCAAGCGTCGACCGCATTGTCGGGAAGCTTCCGTGGAGGACATCCATT  
GCAGAAATGTGAACCATGTTGCACATCTCTCCGGGGCGCTGGTTGGTGTCTTCTGGTATGGCTTCTTAGTAGA  
ATTCCTTCTCATCTCTTGATCAAGATGCATCAGCTTTG

>trans\_c\_2571 AF402608|Phaseolus vulgaris TGA-type basic leucine zipper protein TGA2.1 mRNA,  
complete cds

AGATCACAACCGTCAATTGAACGAATTGAGATCGGCTGTAACTCACATGCAAGTGACCCGGAATTGCGTATT  
GTTGTGCATGGCATCTTGTTTCATTATGATGAGCTCTTATAGGCTCAAGGGAAATGCAGCAAAGCTGACGTTT  
TCCACTTACTATCAGGCATGTGGAACACCTGCAGAAAGATGTTTTCTTTGGCTTGGGGGTTTTCGTTCATCC  
GAGCTCTTAAAGCTTCTGTAAATCAACTGGAGCCTCTAACAGAGCAGCAGTTGGTGGGAATCACAACTTGC  
AGCAATCATCACAGCAGGCAGAAGATGCATTATCACAAGGGATGGAGGCCTTGCAACAGTCCCTGGCAGAGA  
CATTATCGAGTGGAGCTCTTGTTCTCTGGTTCGTCAGGGAATGTCGCAAACTACATGGGTCAAATGGCCAT  
GGCCATGGGTAACTAGGGACCCTCGAGGGCTTTATACGCCAAGCCGACAATCTACGACAACAGACACTTCA  
ACAAATGCACCGAATATTGACAACTCGTCAGTCTGCTCGTGCATTCTCGCCATACACGACTACTTCTCCAGAC  
TACGTGCTCTTAGTTCGCTCTGGCTTGTCTGTCAGAGAGTAAAGAACTTCTCTGTTTAGTTTAAACAAAAG  
CTAGTTTTGGTGACACTGCAGAGACATCAAAGGAGCAGTTACGGTAACACCCATTTTGTATCAATTCATTGGC  
AATGCCTGCCTTTCTTCTTGGAACTGAGCTCTGTCAAAAAATAATTTGTTTGAATTTGGTGTTTTAGGTGTT  
CTTGTTACATCTGTATAAATATTGATACAACTAACTCAAACCTTCCATTGTTTCTCAAGTAAATTAATAATAGTT  
CTATAAAACCAGCCTAATGAACTATGTGACAACTTTCTATTTCGGAAA

>trans\_c\_2572 NM\_001051997|Oryza sativa Japonica Group Os01g0959900 (Os01g0959900)  
mRNA, complete cds

ATGCTGCAGCTATTTTGTGTTGTCAATATGTGTGGTTTGGTTTATCATTTTAGCGTTATCTCTGTTCAACTACTC  
GTTGAGTGAGTGAGCGACATTTCCATAGCTCACAGGCTAAAATTTCTACCTCTCTCTTCTTTTCCGCCATG  
GTTTTCTCTGCATCTCTTCTCACAACCTTTTCTCATGCCTAACTCAATTCCCGCAAATTTTAGAAGAAATCCAC  
TTCGTGTTACCTTATTCGAGCTGTGAAATCCACTGAACCGGAGAAGAAGGTGCCAGAGACCAAAACCCAGG  
AGCCTCCCGTGGCTGAACCTTCAAGTTCAAGTCCCCACCGCCTCTCCAAGGTTCCAAGAAGCCTGTCTAT  
TCGATGAAGAAGGGTCAGATTGTGAGAGTTGACAAAGAGAAGTATCTTAATAGCGTTAATTATCTATCTGTTG  
GACATCCACCTTATTTCAAGGGCTTGGACTACATTTATGAAGACCGTGGTGAGGTATTGGATCTTCGCATTTTC

GAAACAGGAGAATATGCACTTATTGCATGGGTTGGCATTCCGACTGCTCCAGCTTGGCTGCCGACAGAAATGC  
TTATAAAGTCGGAGAACTCAACTACGAAAGACTCTAAATCACAGCTTTGATGAACGATGCTCACTTGATGGT  
TTATAGGTTCCACTTTTCTCCATGACTCTGTAAAGATGTGTAGTTATTTCAAATACATTAATAATTCATCGCAA  
GCCTTTTGCAACCTTGATGCTTCTGTTGATATTTAACATCAAATTATGTGTTAGTACAACGAAAAGAAAAATGT  
TTTTATGAAGAATGATAATGTATATAAGAAGAGATGGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2573 AM284168|Cucumis melo partial mRNA for cinnamate-4-hydroxylase (c4H gene)

CGAACGAGGGATTGAAATGTGCGATTGATCATATATTGGATGCGCAACAGAAGGGAGAAATCAACGAAGAT  
AATGTGCTTTACATTGTTGAGAATATCAATGTGGCAGCAATTGAAACAACATTATGGTCAATTGAATGGGGAA  
TCGCAGAGCTAATGAACCACCCAGAAATCCAAAGAAAGCTAAGAAATGAACTCGACACCGTACTCGGACCCG  
GTGTTCCAATCACCGAGCCAGACACACAAGCTCCCATACCTCCAAGCCGTGATCAAGGAGACTCTCCGCCT  
TCGTATGGCCATCCCACTACTCGTGCCTCACATGAACCTCCACGATGCCAAGCTCGGGGGCTATGATATCCAG  
CCGAGAGCAAGATCCTAGTGAATGCCTGGTGGCTAGCCAACAACCCAGCCAAGTGAAGAACCCGGAAGAGT  
TCCGGCCCGAGAGGTTCTTGAAGAGGAATCAAAGGTTGAAGCCAATGGAAATGATTTTAGATACTTGCCTTT  
TGGCGTTGGGAGAAGGAGCTGCCCAGGAATCATCTTGGCTTTGCCAATTCTTGGTATTACGATTGGGCGTTTG  
GTTCAAACTTTGAGCTGCTTCTCCTCTGACAGTCTAAGTTGGATACCTCAGAGAAAGGTGGGCAATTTA  
GCCTACATTTTGAAACATTCCACCATTGTTGCTAAGCCAAGAGTGTTCTAAGAATTTGTATTGCAAATGGGATT  
CTTTTGGAGTGAATGAGCGAGCAAGTGAATGAAGGATGAGTTTGTGATCTTAATGTATACAATTTGGGGAA  
AAAGATTTTGAAATTGATCATGTTATGTGGGAGGTGGGTAGAAATCCTTGATGATACATGTCAAACCTTTTCATA  
AATGCTTTAAATTTTATCCTTTGTCTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2574 BT025531|Arabidopsis thaliana At5g17560 mRNA, complete cds

AACATTGGAACAAATTTCACTCCGTCGAACTTTCGGCAGACTCGGACCATACATCGGCACGGGAAAGCAAACA  
AGAAAGATAGAGCAAAACCGATCAAGTAGAGCAGTTCCATCGATTAGCTGCGCCCAAGACTTTGATGACGA  
TGATTAAGGTTCTCAACTCGCGTTCCGTCGGGTTCTTCCAATGCTTCTTCCCCGCAACCAACCTTTTTCGGTTG  
TCTCCCGCAAATCACTTCCAAGTGTGTCTGCACCGCCGCGTTGTCGCCGTAATTACCTCCAAATCCAACACCG  
GCCTCCGTAGTAAGAGCAGTAACGTTGTGAAGTATAGCCGTGCTAATGGAACATTTCCAAATGGGGTTCTGA  
GTCGGAACCTCGAGCATTAGAGCCACTCAAGTGAATGAATCTGGATCTATTGATCCCCGCTCATGCAGTCAAT  
GGAGAACAAGATTAAGGAACAAGTAGATGCACAATCTGTCTCGGTAAAAGATGCTTATGGGGATGGACGACA  
TGTTAGCATTGATGTTGTTTCTTCAGCCTTTGAGGGACAGACGGCTGTGAATAGGCAGAGGATGGTGTACAAA  
GCTATTTGGGAGGAGCTACAAAGCACAGTACATGCAGTTGATCAAATGACCACCAGAACACCTGCGGAAGCA  
GCAGCTCAGAATTCATAACTCTCAAAGTTGTCCAAACCTTCTGTCTTTGCCAATAAATGTCTTGCAAAAAAGT  
GTGCTCATATTATTTCTTTTACCTGTTGATTAATGGTAAAAGTCTTTATCTTTGATCTTACATAGTTACATTCAT  
ATGATGGTCAAGGACTCAGCCTGCCTTTTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2575 EF635424|Prunus persica dehydration responsive element binding protein (DREB)  
mRNA, complete cds

AGCAAATCAGAATTTCCCAATTCTCTTACAATCTAATTTCAAATTTACACACACAAAATTCTATTCAATGGA  
TTGGTTCGCTCAATTTCTGACCCACTTCCTTATTACCCCAATTGTAGTTACAAATCTGAATCCTCTTCTACTCTT  
CCGACGCCGGAACACCTCCTCAAACAGTGGTTAACTCCGACGAAGAAGTTATTCTCGCCTCCAACCGCCCAAA  
GCGCCGTGCCGTGCGCGAATTTTAAAGAACTAGACATCCGGTTTACAGAGGAGTCCGGCAGAGGAATAA  
CGACAAATGGGTTTGTGAGCTGAGAGAGCCGAATAAAAAGACGAGGATTTGGCTCGGGACATACCCAACGG

CGGAGATGGCAGCTCGTGACACGACATAGCGGCACTAGCGTTAAGAGGGAAATCCGCTTGCCTAAATTTCTG  
CTGACTCTGCTTGGCGGTTTCCAATTCCGGCGAGTGATGACCCGGCTGTGATTAGAGAGGCGGCTGTGAGGG  
CGGCGAATGAGGGTAGAGATGAGGAATGTAATGTGGGTGGGAAGAGGATGACGGCGGTTTCAATCAGCA  
GGAGGCGTATCCTGACCGGACGGATTATGTGGACGATGAGACTATGTCGAATATGCCAATGTTGCTTGCCAA  
CATGGCGGAAGGACTACTTCTTCTCCTCCATCTTTTTGTGTCAATGAAGACGTGGAGTGGGATGATGTGGCA  
ACGAATGACGATGTGTCATTGTGGAGCTTTTAGAAATAGTTATAGCGACTAGTGATTTGAGCACCTGCTGCCT  
GCCAACAAAGCAACCAGACTTTTGTTCGAGGAAGTCAACCTATATATAATTCCATTTTTCTTTTCAAAATGGAC  
CCTATCGAATTAAGTTGAAACTAAATATTGCATTAAAGACCAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2576 AF248055|Glycine max proline-rich protein mRNA, complete cds

CTGATTTTTTAATTTTTTATTTGTTTCGCTTTATGTTATAATTCCTCAAAAGAATTATTTGATGGACCAAAAAAAAAA  
AATCCTCCTTACAGTTTCCCCACAAGCATCCAAAGATTCCATTAAATGCATTTTCATCGTCTTCTACAACCCTC  
AATCTTCGAACCTGTTTAAATAAACCCCTCGTTATCCTTCCCATTACTCCATCTCTATAAACTCAAAATTCATA  
TCACTTCTTCTTAAATGGCTTCAAATCTCTTCTTTACCAACCATTCTGTTGCTCTCTCTCTCTCTTGTCTCAG  
CTCTGGCCACCCCATGCGACCAACCCAAAACCAAGCCAGCACCGTCAGTGCCCAAGAAAAAACCCGCCATTCC  
CAAAATAATCCGGCCACCGGCGGCATCTTCTCCGGCAGTACAATCGAGTTACTGTCCAAAAGACACCTTGAAG  
TTGGGCGTTTGTGCCGATATTCTTGAATTGGGAGTGTGTAATTGGGAGCCCTGTTTCGAACGAGTGCTGTG  
CTCTTCTTAGTGGGCTGACAGATGTTGAAGCTGCTGCTTGTCTTGTACCGCCATTAAAGCCAATGTTCTTGA  
ATTAACCTGGATATCCCTGTTTCACTCAGTTTGCTCATCAGCTCTTGCCAAAAACTCTTCCCGCTGGCTACCAG  
TGTAATGATCAAAGTTTGGTTTTGTTAATGGGGTTTCTTTGTTTTGGTTGGTATTTAAGTTCTGTGTGGGTC  
AAATAAACTTTTGCCTTAATTCGGGTGAGCTTTTGTCTTCTGTCAATCATCATTAGTAATTACTCTCTAGCA  
AGTGTTATATATTATTAATTTACCCTGTGATTTTTGTTATTTGTTTCATTTGTCTTTGATGTAATTTTTTCTCT  
AAATATGCCTACTAGTTTTCCAAAAA

>trans\_c\_2577 NM\_129569|Arabidopsis thaliana yippee family protein (AT2G40110) mRNA,  
complete cds

ACTTAAAAAGATCATCCAATATTCATAGACGGGGACAACGAAGTTTCATGAATAATATAGCGAACCATTTTGA  
TTTTGACCAACTCCTTCATCATCTTCATCCCTCTCCATCCCCAAACCTTTTTCTTTCTTTCTAATTTGATTTCAA  
AACCTTTCTCTATTCACAACAAAAGGGGCTCTACATTGCAATCAACTGAGAAGTGGGCTTCTTTGCAAAACAT  
AATTTGTGAGAAGCTTAAGATTCAAAGCTATGGGAAGATTGTTTCGTGGTGAATTTGGAAGGGCAGATCTACA  
GCTGCAAGTTCTGCCGGACCCATCTTGCTCTTTACGAAGATATCATTTCTAAGTCCTTCCACAGCAGACATGGG  
AAAGCTTACCTCTTCAATAAGGTGGTAAATGTTTGCTTGGGTAAAGATAGAAGAGAGATTGATGATGACAGGG  
ATGCATACAGTTGCTGATATCTTCTGTGTGGGTTGTGGATCAATGGTGGGATGGAAATATGACACTGCCCATG  
AAAAGAACCAAAAATACAAGGAGGGGAAAATCTGTACTTGAAAGGTTCAAGGTTTTGGGACCTGATGAAAGCA  
GTCACTGGGGGGTCAGTCATGAAGCAGATGCAGGTGGAAGTGAAGGAGATGATGTTTGATTCTGCATTCAC  
TCAACTGTAAATTCTGTAAAACCTAAAAATTTTCTAGTTTGAACCTGTATTCTAACGATGTTGATACTTGTACA  
TCGTTTCTCCCACTAAAAATTCTTAATGTTTCATGTTGGGATGAGAATGAACAATAATTGTTGTATCTCCTAAA  
TAATGTTGTAATGTTTAAATTAATTTGTCGTAGAAAGCATATTTGTAAAGGTTTATTTAGTAAAGAGATTTGA  
ACAGCATAGTTTCGTAGTTATTAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2578 AF141384|Matricaria chamomilla serine carboxypeptidase precursor, mRNA,  
complete cds

ATCCATTTTCATCTTCAGAGGTTGAAGAAGGAAGAGAGAAATTTGAGAGCCAACAAGAAATGAATGGTTCTATT  
TCTCTCTGATTTTGCTATCCATTTTGATTCTTTCTCCGCCTTCCTCTTCTGCTGGAATCCTCGATGATCCTCGTCT



TCCGCTTCCGATTTTCTTCCGCTCAGGCCGAGAAGCTGATCAGAGAGCTCAATTTGTTTCCTAAATCCGATG  
CCAATATCATCCATAGGAATATCGAAAATTCCTCTCTGATTGCCGCCGGAGCGAAGAAAATCGTTGAGAGGCA  
GTTGAGATTCCCTCTCTTTGATGATTCTGGGGTTTCCTTGAGGAATTGGGCCATCGTGCTGGATATTACAAGA  
TCGAGCATTCTCATGCTGCGAGGTTGTTCTACTTTTTCTTCGAGTCCCAGAACAGCAAGTCAGATCCTGTTGTT  
ATCTGGTTAACTGGAGGCCAGGATGCAGTAGTGAATTGGCTATGTTTTACGAAAATGGTCCTTTTAAATTA  
CTAATAACTTGTCTCTTGTGTTGGAATGAATATGGTTGGGATAAGGTATCAAATCTTCTGTATGTAGACCAACCG  
GTTGGGACTGGTTTTAGCTATAGTTCTGATAGACAAGATATTCGTCATGATGAAAATGGTGTTAGCAATGACC  
TTTATGACTTTTTACAGGCTTTCTTTGACGAACATCCTGACCTTGTTGAGAATGACTTCTTCATAACCGGAGAAT  
CTTATGCTGGGCATTATATTCTGCTTTGGCTTCTCGGATTCATCAGGGAAACAAAGCTAAAGAAGGAACTCAT  
ATAAACCTTAAAGGATTTGCTATTGGCAATGGGCTTACTGATCCTGNCATCCAATACAACTTACCCAGATTAC  
GCATTGGACATGGGCATAAATACGAAGTCTCAACATCGTC

>trans\_c\_2579 NM\_180537|Arabidopsis thaliana PYR6; cytidylate kinase/ uridylate kinase (PYR6)  
mRNA, complete cds

ACGGTCAATCCATTTCTCTCTATTTAACCTCTCACTGCCCTTCCCTTTATTTCCGCGTTTTCCCTCCTCTTCGATC  
CTTCTTCAGATCTCTCTTTCCCCCTTCGCGCGCGCTCCATTTTCAACTATAGTTAGTTCTGTTTAAATCAGT  
GTCATGGGGACTGTCGTTGATGCTGCTCCAATCAAGGAAACCAATGGAAGTTAGCTGAGAAGAAGCCTACA  
GTTGTCTTTGTTTTGGGTGGACCAGGAAGTGGCAAGGGTACTCAATGTGCAAATATTGTCAAACATTTTGGGT  
AACTCACCTTAGTGCTGGAGATCTTCTCCGAGCAGAGATAAAATCTGGCTCAGAGAATGGCACGATGATTCA  
AAACATGATCAAAGAAGGGAAGATTGTTCTTCTGAGGTCACCATAAAGCTTCTTCAACGAGCTATAGAGGAA  
AGTGGCAACGAGAAATTTCTTATTGATGGATTTCTCGTAATGAGGAAAATCGTGCTGCATTTGAAGCAGTTA  
CGGGCATTGAACCATCTGTAGTCCTGTTCTTTGATTGTCCTGAGGAAGAGATGGAGAAGCGCTTGTTGAGTAG  
GAATGAGGGAAGAGTGGATGACAACATTGAAACAATTAGGAAGCGATTTAGGGTTTTCTTGAGTCTAGTAT  
TCCTGTGATTCAATATTATGAATCCAAAGAGAAAAGTTCGGAAGATTGATGCTGCGAGGCCTGTTGAGGAGGT  
GGTCGAATCCGTTAAAGCCGTTTTTACTCCAAAAAGTGAAAAGGCTGACTGAGGATAACTGCCCAATAGTTTT  
TGCAATTGTTATCTTTGAGGTATTGATTTTGGTGGCAGCATCAGAGTTGGATGTTTAGGTTCTATTCTATAACA  
AAGGAGTTTAAACCATATTCTTATTATTGTTACCGTACCTTTTATTAC

>trans\_c\_2580 NM\_102828|Arabidopsis thaliana molybdenum cofactor sulfurase family protein  
(AT1G30910) mRNA, complete cds

GATTTGGTTGTATCATTTGTTTCGGCAACTTTAGCGTAGGGCGCGGGGGAAGAAGCTAAAGGCGAAAGGGGTT  
GTGGAATCAGCTCTCAATCATCACTCATCATCGTTTACGTCCTTCTGTGTTACAATCTTTGGTAGCTACACTA  
TATATGGCGGCTGTGTCTGCAATTTTCATTTACCCAATCAAATCATGTCGCGGTATTTAGTTCCCCAAGCACCT  
CTTACCCCTACTGGATTTGATGGGACCGTCAATGGTTGGTTGTCAACTCTAAAGGAAGGGCTTACACTCAGA  
GAGTCGAGCCTAAGCTTGCTCTCGTCCAGGTCGACCTCCCAAACGAAGCTTTCTTCGATGACTGGAGCCCTTCT  
CAATCCTCTTTTCTGTCAATTAAGCTCCTGGGATGGATGTCTTAAGGGTTCCCCTTACTCAACCTCAGTATAAT  
GCTGATGGTGTCTCTGTCTGGGAATGGTCTGGCTCTGCACTCGATGAGGGAGATGCTCCATCAAAGTGGTTTT  
CAGATTATCTTGAAAAACCCAGTCGTTTGGTGCGCTTTAATCCAGCTTCACAAACAAGGGAAGTAGATCCCAA  
TTATGGTCCTGGACATCAAATCATGTTTTCGGATGAGTTCCCCTACATGTTGATATCTCAGGGATCTTTGGATG  
CTTTGAATAAAGTTCTCAAAGAACCCGTATCAATTAATCGCTTTAGACCTAACATTCTCGTTGATGGCTGCGAA  
CCATTCTCCGAGGATTTGTGGACTGAGATCGAAATAGACAAGTTCATATTTAGGGGTGTTAGGCTATGTGCC  
GTTGCAAGTTACCTTCAATAAACCCAGGAGACTGGAATTGCAGGACCTGAGCCGAATGAAACTCTAAAGAAGA  
TGAGATCAGATACCGTCTGCGTCCAAACATAAACAAAAGGGAA

>trans\_c\_2581 D50456|Cucumis sativus mRNA for PsaL, complete cds

AAATCTAAAAATCTCACCTCATTCTTCTTCTCTGCCACTGATCCTTCCACAAGCCAAAGGCAGCAGAAGCAAAA  
GCAGCAGCCATGGCCACTGCAACCTCTCCATTGCCAGCCAGCTCAGTTCCAGCTTCGTTTCATCTAACACCAG  
AGCTTTGATCTCTCCTAAAGGCCTATCCGCTTCGCCCCCTCCGACGCATCCCTACAAGAACACACTCCTTCACCAT  
CAGAGCCATCCAAGCTGATAAGCCAACCTACCAAGTGATCCAGCCAATCAATGGAGACCCATTTCATTGGAAGC  
CTTGAGACTCCAGTAACCTCAAGCCCACTGATAGCATGGTACCTTTCAAACCTCCAGCCTACAGAACAGCAGT  
CAGTCCATTGCTGAGGGGAATTGAAGTGGGCCTGGCTCACGGTTTCTTCTGGTTGGTCCATTTGTCAAAGCT  
GGCCCTCTAAGGAACACAGCCTACGCCGGAGGAGCAGGCTCACTGGCTGCCGGTGGTCTCATTGTCAATTTGA  
GCATCTGCTTGTGTTACATACACACCACATCATTCAATGAAGGAGAGCCATCTACCGCACCATCATTGACTTTG  
ACTGGCAGGAAGAAGACCCCTGATCCTCTGCAAACAGCCGATGGGTGGGCAAAATTCTCAGGCGGGTTCTTC  
TTCGGCGGTATCTCCGGTGTGATCTGGGCATACTTCCTCCTCTATGTCTTGACCTCCCTTACTACGTCAAGTAG  
ATTTTGTATCATTTTCTGTTTCTACAATGCAACTTCCATGTCTGTGTTATGGAAACATAAAATTGTATATTTTCTG  
CCAAACCTCTTGTTAGATCCTTTGTGATTGCATATCGATTTCTTTTTTGGAACTGTTATGTAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2582 EU274649 | *Panax quinquefolius* 60S ribosomal protein L6-like protein mRNA,  
complete cds

AAAGCAGAGAGGAGACGAGGCAGCCAAGTTCTGAGAAATTCATCCATGGCTCCGAAGACAGCAAGAGTTAG  
CCGAAACCCCGATCTCATTTCGAGGGGTTGGCAAATACTCGAGGTCCAAGATGTACCACAAGCGAGGTCTCTG  
GGCAATCAAGGCCAAAAATGGAGGTGTCTTCCCTCGCCACGATGCCAAGCCTAAGCCCGAAGCTCCAGCTGA  
AAAGCCGCCGAAATTTTACCCTGCCGACGATGTTAAGAAACCCCTTGTCAACAAACGCAAAGCTAAGCCTACC  
AAACTTAGGGCTAGTATTACTCCTGGAAGTGTGCTTATCATTCTTACTGGAAGTTCAAGGGAAAGAGAGTTG  
TGTTCTTGAAGCAACTTCCGTCTGGGTGCTTTTAGTGACTGGTCCGTTCAAAGTCAATGGCGTTCCTTTGAGA  
CGTGTGAATCAGTCATACGTGATTGCAACCTCCACCAAGGTGGACATTACAGGAGTTAACGTGGAGAAGTTTG  
ATGACAAATATTTCTCAAGGAAGTTCAAAAGAAGAAAAAGAAGGGAGAAGGAGAATTTTTTGAAGCAGAG  
AAGGAGGAAAAAAGTGCACCTCCACAAGACAAAAAAGATGATCAGAAGACCGTGGACTCAGCTCTGCTGAA  
GTCCATCGAGGCAGTCTCAGACTTAAAGACCTACTTAGCTGCAAGGTTTTCTCTAAAGGCAGGCATGAAACCA  
CATGAACCTGTTTTCTAAACATTTCTCTCTTGGGTGCTGAAACTTCTCTTATTGAAGTTGATCCCTACAATCTTCT  
TGTTTCATGTTCTGTTACAAGGATTCTAGATTTGAAGTTTTGTGTCTCAGACGAATTTGCAAGTGAACCTTTATTC  
ATCAATTTTTGCATTTATGTACCTTCCTTTGACTACTGATAGTGAAAAAAAT

>trans\_c\_2583 XM\_002880238 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* ADP-ribosylation factor A1E  
(ATARFA1E), mRNA

GTGAAGGACAGCTTCTCCCTTGTGTTCAAGAGAGAGAGATCTATCATTCTTATTTGGGGCCGATCTCTCTATTC  
TCCTCTCTTCTATTCTTTACTTGAAAAATGGGGCTGTCTTTACCAAGCTTTTCAGCCGGCTCTTTGCCAAGAA  
GGAGATGCGTATTCTCATGGTGGGTCTTGACGCAGCTGGTAAGACGACAATTCTTTACAAGCTCAAGTTGGGA  
GAAATTGTCACCACAATTCCTACCATCGGTTTTAATGTTGAGACTGTGGAATACAAGAACATCAGTTTCACTGT  
CTGGGATGTGGGGGGCCAAGACAAGATCCGACCATTGTGGAGGCATTATTTCCAAAACACCCAAGGACTTAT  
TTTTGTGGTGGATAGCAATGACAGAGACCGTGTTGTGCAAGCTAGGGATGAGCTGCACAGAATGTTGAATGA  
GGACGAGCTGAGGGATGCTGTGCTTTTGATTTGCCAACAAGCAAGATCTTCCTAATGCCATGAATGCTGCT  
GAGATCACCGACAAGCTTGGTCTTCACTCCCTCCGACAACGTCACTGGTACATCCAGAGCACATGTGCCACATC  
CGGTGAAGGGCTGTATGAAGGACTTGACTGGCTCTCAACAATATTGCCAACAAGGCGTAGATGGGGGTTTC  
TTTTAAGCAGGGATTGCTTCTGAAAAATCAAATTGATGTGATTTATCCCTTGTTTACGGGCATTTTTGTTGGATT  
ACCTGATCTATACGACGTTTCTAATGGATGATTCTAGGTTGGGTGTTGGATCTATGAATAATGAAAGAAATTT

>trans\_c\_2584 AY045615|Arabidopsis thaliana At1g68660/F24J5\_4 mRNA, complete cds

>trans\_c\_2585 NM\_129701|Arabidopsis thaliana embryo-abundant protein-related (AT2G41380)  
mRNA, complete cds

>trans c 2586 XM 002881193|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata B5 #4, mRNA

[illegible]

TCGTCGATTTTTATGCTGTTGCTAATGATCAGTTCGTTCAACAATGTCGTTTCTTGGTTAAAAAATGCAGACAGT  
GAGTGTCTTCATTTCCAACCTCCTCTAGATTTGTCATATTTAATGTTCTCTATACTTTTTAATTTTCAAAATAAA  
GATGGTGGAGATTTTGTTATCTGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2587 NM\_104483|Arabidopsis thaliana GTP-binding protein-related (AT1G56050) mRNA,  
complete cds

AATGTACACCTTTCAATTTCAATTTCAATTTATCGATTTTCCGGCGATAACTATTTGCTCCATCGCCACCGGATTCT  
CATAGCTGCAACTGGTGGCGGCAGCCATGGCCAGAACAGTTTGCTCTCACATTATCCCTCTCTTCTTCTCCCTT  
CAAAGTCATCCTTCTTCGGAACCTACTCTCTTCTCCAGACCTTCTCATTTCGACCATGTTATGGTGTCTGGCC  
GACGCTTCTCTTCTTCATCCAAGATCAGCATGAGCCTCAGAGCCGGTATTGTTGGCCTCCCTAATGTTGGAAAA  
TCCACTCTCTTCAATGCTGTCGTTGAAAATGGGAAGGCTCAAGCTGCCAACTTCCCTTTCTGTACAATAGAGCC  
AAATGTAGGAGTAGTTGCAGTTCCAGATCCCCGTCTCCATAAACTTTCTGATCTCAGTAAGTCTCAACGAGCGG  
TCGCAGCATCAATAGAGTTTGTAGACATTGCTGGGTTAGTGAAAGGAGCCAGTCAAGGAGAGGGACTCGGA  
AATAAATTTTTATCCCATATTCGTGAGGTGGACTCAATACTTCAGGTTGTGCGTTGTTTTGAGGACAATGACAT  
TGTTTCATGTGAATGGGAAAATTGATCCAAAACCTGATATTGATGTGATTAACCTTAGAGCTTGATTATCAGATC  
TTGACCAGATTGAGAAAAGATTAGAGAAGCTCAAGAAAGGCAAGGCAAAGGATTCTCAGTCTAAAGTCAAGG  
AAGAAGCAGAGAAGTCTGCATTGGAAAAGATTGAGAAGGTCCTTTTGGATGGAAAACCGACGATCAGTTA  
CTTTAACAGATTTGGAAAAGGATGCTATAAAGCATCTTGCCTGCTTACNATGAAACCGGTCATATATGTTGCC  
AATGGTGCAGAATCTGATCTAGGCGAGCCTGCAAGTAATCCT

>trans\_c\_2588 AB293427|Cucumis melo var. cantalupensis ETR2 gene for ethylene receptor,  
complete cds

GGGATAAATAAGAGCAATTCTCAATCAGAGGGCTCTATTCCAAATGTGGTATCTGGTGATCGGAGATACGCCA  
GTGATGGAGCTGAGGAACGCTTGAGTTTTACCATCTGCAAGAAGCTTGTTAAGTTGATGCAAGGGAACATAT  
GGGTAATCCCTAATCCTCAAGGATTTACACGAAGCATGGCACTTGTTCTTCGTTTTCAACTTCGACCCTCCATAG  
CAGTGGCCATGCCTGAACCTGGAGAATCATCAAAACATCCCACTCCAATTCCATCTTCAGAGGATTGCAAGTT  
ATTTTAGCCGATGCAGATGACATGAACAGAGCTGTGACAAGAAAAATGCTCGAGAAGTTGGGCTGCAACGTG  
ACTGCTGTTTTCTTCTGGATATGAATGTCTCACAGTCATGGCACCAGCTGGTTCTTCGATCCAAGTGGTGCTCTT  
GGATCTTCACATGCCAGAATTAGATGGTTTTGAAGTTACAACAAGGATTCGAAAGTTTAGAAGCCAGAATTAT  
AGGCCAGTGATCATTGCATTAAGTCAAGTGCCGGTGAAGATTGGGAGAGATGCGTGCAGATTGGGATGAAC  
GGTGTACATACGAAAACCGGTTCAAGTTACAGGGAATCGCCCATGAGCTTCGCCGTGCTCTGCTGCAAGCAAGTA  
AGGTTGTGTGAGGAGGAATAGAGAACCTGGCAGTTAATGTTTATGTGCAAAAATCTGGTTATCTTGATAGAG  
AGGTAGCAAGCAAATATAATTAGTCTCTGACCTCAAAAGTCTGAGTTTCCCATCAAATCTTCCGCCAGAGA  
GGAATGTTACGAACTCGAAAAATGTTCAACAATTTACAGTGAAAAATGGTATACAATAGTTGTCCCTACTCT  
CTTTCTTTTCACATCTTCTTCTCCCTCAATCCTATCTAACACGGAGGG

>trans\_c\_2589 NM\_125517|Arabidopsis thaliana protein binding (AT5G61240) mRNA, complete cds

AACAGCGCCTTTTCCGCGTTCGAGAAGAAGTTCTTAGTGAAACAAACGATAACTGGAGCTTCTGTCTGAAGCG  
CTCAAGTTCTTGGAATTGGCTTTCTTCACTCAGATCTATCGATTCAACATCGATTTCAATTTCTGCATTTTTGAAT  
TCCATTAATCTTGAAGTTAAGGAACCTCACAGATCTGAAACAATGGCGCGGCGACTTCACTGCCGGCGTTTT  
GTTTATTCTTCTGTCAATCTCTCTGTTGAACGATCTTATTCTCTGTAAACCTAAAACGTGATGTGAAAGCAT  
TGAATGAGATCAAGGCTTCTTGGCTGGAGAGTGGTGTATTCTTGGGTTGGTGATGATCCGTGTGGCGATG  
GTGATCTGCCTCCTTGGTCTGGTGTCACTTGTACTACTCAAGGAGATTATAGAGTGGTTACTAAATTGGAAGTT

TATGCTGTTTCGATCGTTGGCCCGTTTCCCACTGCTGTAACCAATCTCTTGGATCTTACGAGACTGGACTTCCAC  
AATAACAAGTTGACTGGACCAATTCCTCCTCAGATTGGAAGATTGAAGCGTCTTCAGATACTTAACTTGAGGT  
GGAATAAGCTGCAGGATGTCATACCTTCTGAAATAGGTGAACTCAAGAGTTTGACTCATTTATATTTGAGCTTC  
AATAATTTCAAGGGAGAAATTCCAAGGGAGCTTGCTAGTCTTCCGGAGCTTCGCTATCTACACCTACAACAAA  
ATCGTTTCATTGGACGAATTCCTCCTGAATTGGGCAACCTGCAACATCTTCGCCACTTGGATGTTGGTAACATC  
ACTTGTTGGCACCATAAGGAACTCATACGCGTTGATGGCTGCTTCAATCTCTTCGCAACTATATCTTAATGA  
TAATATTTTACTGGGGGCGTTCCTGCGCAACTTGCAAATT

>trans\_c\_2590 NM\_103560|Arabidopsis thaliana ChaC-like family protein (AT1G44790) mRNA,  
complete cds

CTTTACCAATTGGAAAAAAGCTCGCCTCTGGCCCCGCAATTTCCCTCCGCATTGGAGCGGAAATAGGACTGA  
ACACACGCCGGAAAATTGCGGACGTTCTAAGAAAAGTCAGACCAAAAATGGTGATGTGGGTATTCGGGTACG  
GCTCTCTTATTTGGAAAAGTGGATTTCTTTTGACCAAAAATTACCTGGCTGTATCAAAGGCTACCGCCGTGTC  
TTCTATCAAGGAAGTACTGATCATAGAGGAACTCCTGAATTTCTGGAAGAACTGTGACATTGGAGGCTGCGG  
AAGGGGAAGTTTGTTGGGGTGTGCTTACAAGATCACCAAAAAGGAGGATAAAGAACTGCATTAAATCATT  
TGGAAGTGAGGGAGAAAACAATATGATAGGAAAGAATATGTGCAATTTTTACCGACCCCTTGATACCAACCC  
TATTGTTTCTGGAGTAATGGTGTATGTTGCATCTCCAGACAAGAAGCTAAACAAGAATTACCTTGGCCCTGCAT  
CTATCGAGGAGATTGCCAAACAGGTAGTTCATGCGGAAGGGCCCTCAGGACCAACAAGGACTATATTTTTCA  
ACTCGAAAAGGCTCTTCTCAGTTTGATGGTATGATAAACATGTAAACGATCTAGCAAATGAAGTTAGAAGC  
CTTCTTTCAGATGGGAAGCTGACTGCTGCTTAGCGTTCAACATCGAACTTAAAGCCCTGGAAGTAGTATTGCTA  
GCCTCTTTCCTATCATCGTCAAGTGATATTTAGTCCCACTGGAGGGTGTTAGATGCATCTTTATTCAATTATTG  
TTGCCTCCAATGGCAAGTAAAGGTGGAAATTTCTTAATGTTAAGTATTTAAGATTGTCTTAAACGCTGAATTA  
TTAAGTTGAAAACCTTTATCTCAGCAGATGCGCAATTATGCTATGCTG

>trans\_c\_2591 NM\_001050279|Oryza sativa Japonica Group Os01g0653800 (Os01g0653800)  
mRNA, complete cds

CTGCGATTAGCAAATCATGGCGAGTTGACACGACTAAGTGGATTGGTAAACAATTTGATCTCAGTCGGTTCAG  
GACGCGAAGCAGCATTTGCAGCAGCAGTTTTGGGAGACAATGCTCTCATGGAAAAAGCATGGCAAGACACTG  
GAATGCTTGCGGAAGCAGAGCTTCATGCTCATGCTCATGGGCGACCGACATTGAAAAGCTTGTTGAGTCTTG  
GAACAAGATGCTACAAAAGGAAATGGAGCATACTTCATCAGAAAAGACGGACGCTACAGCTGCATTTTTTGC  
ATCCCTGGAGGAACCGAAACTCACAAGCTTGGCAGATGCAGGCAAGAAGCCTCCAATCGAAATCCTTCCTCCT  
GGAATGCCAACTCTTTCATCTTCCATTCTTGGTCCAAAGAAGCCTGCTCCTGGAGCACAAGGTGCTCTGCAACA  
ACCGGCCAAGCAATTAATGTTGGAGGCACCACCTGCTAATCCACAACCACCACCAGACGGTACACCGACACAA  
TCAGAACCAATGAACAGACTGCGGATGGTAATGCCCAACTTCAACAACAGCTACTGACACGTCTCCGACTA  
CTCCAGCAGAAAATGTTCTACAACCTCAAATGGTTTCAAGAGCCATCGGATACTCAATTAGCATCCTCCAACACA  
ACACCGGTAGAGACTCAAATACCAACACCATCCGGAAATGATACCACACATCCAGAGGCTGTAATAGAGTCGC  
CTGAAGTTAAGAATTCCTCTGTTCCGATTTTCATCTTACAGATGATGCACCACCACCATCAGAGGCCCCATCC  
GAGGTACCTGAGCTTCAGAATACCTCTCTTCAAATGTATCACAATTTGAAATCCAGCTATAGTCGAGTATAG  
AAGGTGAGGTTGATTTTGGTACCAGCTGTTGCCCGCTCTTGACCGAGCG

>trans\_c\_2592 NM\_001049633|Oryza sativa Japonica Group Os01g0384800 (Os01g0384800)  
mRNA, complete cds

AAACAAAGCCTTGCAAGAGCAGAAATACAAAGAGGGAATCCGGGGGAAAAAAAAAATAGAGAAAAGGAAAAG  
TTGAAAAGACGCTAATACCCTTCTTCTTCATCTTCCCGTCTTGTTGTTGCTGTTGTTCTCTGTGTGGAGAAGA

AGCGAGGGTTAAAGCTCTTAGTTTCAGAGAAAAGGAACTCATCAGCCCCGTAGCGTTTGATCTTTTGGTTTTT  
GAAACCATTTTTTTTTCTTTTTGTTTGTATTTTTGGAAGATTTCTTAGGGATTTTGTCTTCTTCATTCATGGGG  
ACTGAGATTTTAAGACCTCAGGATTGTTTGATCGAAAGGATCAGAGTTCACCGGCAGCGTTTGTCTGTCGGA  
GGAGTTCTTATGAAAACATGATTCCAATATTTGTAACAACATAATCCTAGATCTAACAGGAAGTCGGTGGCT  
CGTTCGGAGCGGCCGGAGCAGCGGAAGAGATTTTTCCGAATCATTAGAGCCGTCGGTCTCAAAGAGATCG  
AGTTCCGACGATTTGAAGGCGATGAAAAATAGTTTGGTGATGGAAAAGGTTACGATCTTGAGGCGAGGTGAA  
TCTCTTGATTGCAAGATCAAGAGCGAAGCACTGAAGAAGGAAGGTGATAATATTGTCGTGTGTGGAACCGAT  
AGGTTGGGTGTAACGCCCGAAACGGTTGCGAAACAAATCCGGATCGTCGACGTGAGGTGTCCGATAGCCGG  
AAAAGCCGATGTGTACGCCGGATCGGCGTTTTCGATGTCGCCGTCTCCTAGTTCTTCCATTACCATCGTTTTC  
GAAGAAGAAACACGTATCCACCATCGTTGACGACTCGGCTACCAGAGATCTGAGGCGTTTGCTTCGGCTCGAC  
GCATGAGTTCTTACCAGATCTTGAGCCCAAGCTCAGGGCTTGACCCCC

>trans\_c\_2593 EU737109|Eucalyptus grandis myo-inositol oxygenase (MIOX) mRNA, complete cds

ACACCATATCTATTTCTTTCATTCGTTTCATTCATTCATTCATTTTTGTTTTCTTCCCTAACACTAACGCACCATG  
ACGATCCTTATCGAACAGCCTCACTTCGAAGTGGAAGATGAGAAGAAGGTTGGGATGACAGAGTTGAAGGA  
ATTGGTGTTAGACGGGGGATTTGTGGTACCAATGCGAGGACGACGGAGGGATTTCGAGCACCAGAAAATGA  
ATGCATTCGGGCATTCGTTTAGAGATTACGAAGCGGAAAGTGAGAGACAAAAGGGGGTTGAGGAATTCTATA  
GGAAGAATCACATTCATCAAACCTATGAATTTGTGACGAAGATGAGAGAAGAGTATAAGAAAATGGATAGAG  
TGGAAATGAGCATATGGGAATGTTGTGAGCTTTGAACGACGTCGTGGATGATAGCGATCCCGATTTGGATG  
AACCACAAATTCAGCATTTGTTGCAAACGCTGAAGCAATTAGGAAAAGATTATCCTGATGAAGATTGGTTGCA  
TTTGACTGCTTTAATCCATGATCTTGAAAAGTGCTTCTTCTCCTAGCTTTGGTGGGCTTCCTCAATGGGCTGT  
TGTGGGAGATACACACCCTGTTGGATGTGCTTTAGATGAATCCATTGTCCACCACAAGTATTTCAAGGAGAAT  
CCAGATTGGGAGAATCCAACCTGATAGTACCAAAAATGGAATTTACTCTGACGGCTGTGGAATCAATAATGTCA  
TGATTTTCATGGGGCCATGATGACCATATGTATTTGGTGGATAAAGAGAACGGTTCCACCTTACCTTCGGCCGG  
ATTGTTTATAATCAGATACCATTTCTTCTATCCTTTACATAGAGCAGGAGCTTATAAACATCTAATGAACGAGG  
AAGATGCCCAAAATTTGAAGTGGCTTCATATATTCAACAAGTATGATCTCT

>trans\_c\_2594 XM\_002868224|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA polymerase Rpb7 N-terminal domain-containing protein, mRNA

TGAAACTCGGTGACCGGAAAGGGTAGTTGCTGCTTCTCCTCTTCTTCTGCTTCTTCAGATCTCTGATAGGTTG  
AACGTTGAAGGAAGTAGGAAAATGTTTCTCAAAGTGCAGTTACCGTGGAATGTCATAATTCCTGCTGAAAAC  
TAGATGCAAAGGGCTTGATGCTCCAGAGGTCTATTATAATCCGTCTACTAGATGAATTTGCCACCAAAAAGGC  
CACCAAGGATCTCGGCTATTTCTTGCAGTTACTACTCTAGAAAATATAGGAGAAGGGAAAGTTCGTCAAACA  
GGTGATGTCTTGTTCCAGTTACTTTTAGTGGTATCACCTTCAAACCTTATAGGGGAGAGATCTTGAAGGGGT  
TGTTCAACAAGGTTCTCAAGCATGGTGTTTTCTTGAGATGTGGCCCCGTCGAGAACATTTATCTCTCTTACCTAA  
AAATGCCAGACTACCGCTATGTGCCGGGTGAGAATCCCGTCTTCTGAACGACAAGCTCTCAAAGATTGAGAA  
AGACGTGGTAGTGCGTTTTATTGTGATTGGAACAAAGTGGCTTGAGGCCGAAAGAGAGTTTCAAGCACTTGT  
AAGTTTGAAGGTGATTATCTAGGGCCTGTTTCTTAGTGATTTTTTTGGCACTGCAATCATGTACTCTGTATATA  
TAAACCCAAATCAAGTTTTCTCCGGGATGGAACAGTGTCTAGGTGACATTATCAATTGAAGCTAAATGCTTGTA  
GGAAGTTTCTTGACAATGAACAGTAGGCCTGTAATGCAATTATGCTATCATGTTATTTTCATCCTTGTTAAGC  
TTTAAGGCTTGATTATTTGACGGGTATTAATCTTATGTATAATGCATACGGATATATAATATCTTGGGGTAT  
TTAATTTTCAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2595 FJ694015|Dimocarpus longan YAB2-2 mRNA, complete cds

ACTTCTTTCTTCAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAGAGCATCTTTCTTATTTCTCTCCTATTTCTC  
TCTTTCTATCTAACCCATTTCTTTTCTTTTTCCCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCACAAAA  
ACAGAAATTTAGAAAAGGATTATAAATCAAAGCAAAATGTCACTGGACATGATGGCTTCAGAACGTGTTTGTTA  
TGTTCACTGCAACTTCTGCAACACCATTTTAGCGGTAAGTGTCCATGCAACAGCATGTTACATTGGTGACTG  
TGAGATGTGGCCATTGTTCAAATCTGCTTCTGTAAACATGGGAGCTTCTTCAAGTTGTTCTCTCTCAAGATT  
CTCAACAGGGTCATAAACACAGCAGGTGAATGCTGGGGATTGAGTAAGGACAGAGCTTCTTCTTCTTCTC  
TGCTAAATCCACCAAAATTGGTTCTTCTGATTCTTCTGCAGAACGTGACCAACATAGAATCCCTCCTATTACCC  
ACCAGAGAAAAGACAGCGTGTTCCATCGGCTTATAATAGGTTCAAAAAGAGGAAATCCAAAGGATTAAGGC  
TAAAAATCCTGACATAAGCCATAGAGAAGCCTTCAGCACAGCAGCTAAAAATTGGGCACATTTTCTCACATCC  
ACTTTGGGCTGAAATTGGATGGAAATAATAAGCAAACAAAATAAGTTTGAATTTGACAAGAAATCATCATAGT  
CCATCTCAAATCTCCAATGAGTTTCTGCCATCTTTAATTCAAGAGATGATGACGTGTCAATAGATCATAAAAT  
ACTAAATAAAACACCCCCCCCCCTTTTTTTTATTA AAAAAGATTAATTGATGTGTATTAATTTAGAATGCTAT  
TAGTATATTCCAAAAA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2596 NM\_001057310|Oryza sativa Japonica Group Os03g0647800 (Os03g0647800)  
mRNA, partial cds

GACAACTTCGGTGCCGGTTTTCTTCTTCGGCAGAAAGTTCCATTCGACCATGGCGATTTCTATCCCTCACCG  
GCGTCTGCCGTGCTGATTCTGTTGGTTACAGCGGTGCTCGTCGAAGCTGGCGACAACAACCGAGTTTTCTCAC  
CTTGCACTGACACAACTGTTGAACTTCCGACGGCTTCACCTTAGGGTTTGCTTTGCGACGCAGCAGAAAGTTT  
TTCTTCAACAAAACATTGCAGTTGTCTCCTTGCATAGCAGGCTCGGTCTTACGAATGGAAATTCTCTGATCTC  
TGTGTTTAGACCTAAGGTTGATGAGATCTCCTCCTCACCGTCAACACTTCTCGCTCTGTGTCTCTCTCGATCC  
GTCTTCAAATGGCTATATGGTTGCATTGCTGGCCGGAATATGCTGCAAGGTCCCCTCCAATTTTGTGCGAG  
ATCAACAGCATATCGTAACCAGCTTACTCTGGTGCTTGAGTTTAAAAAGGAAGGCTGCAAACTTGTTCTG  
GAAAAGGGACGGTTGCGCTCAATGTTCAAACAACAATACCTTTGTTGCATCCACAATCAGGATTGCGCAATC  
AGAACAAACAGCTGCAAAAACAATGGTGGTTCTGTGATTGTAGTCTCGCAATTCAGTTAGCATTCTCCGGCA  
CAGATAAGCACCTTTCTGTCTTCAACTCTTGGTATGAAGTGTGAGACTTCGTGAGTACTACTCTTCAATCTGT  
ATTCGAACCTCAAAGATTCTCTCACAAGTCAGTATAACAAGATTTTCTAATAGACCATATTTCTGTTGATGTATA  
TTGTCATGATTTCCATCATTGTATGCTATAATTCAGTTTGTGCAACAAAATCGTTTGAAATCCTCTTCATTTCTCA  
TTAATTAAATGTGTAAACAATAGGTTTGGGACGACT

>trans\_c\_2597 NM\_001067154|Oryza sativa Japonica Group Os07g0675000 (Os07g0675000)  
mRNA, complete cds

ACCGCTCCTTTGCATAAGCAACAGTCCATGATCTTAGTTGACATCCAGACTCCAGGTGTAATTGTTAAAAGACC  
GCTCACAGTGTTTGGCTTTGATGACGCACCTCATGGCCATGCTGAGATAATTTGACAATGTTTCGTGTTCTG  
CAACGAATATTTACTTGGAGAAGGTCGTGGATTTGAAATTGCACAGGGTAGGCTCGGCCCGGGGAGGCTGC  
ACCATTCATGAGGTTGGTAGGAGCTGCAGAGCGAGGCATGCAATGGCAGTTCAGAGGGCTCTTAGTAGA  
AGAGTGTTTGGGAAGTTGATTGCTGAGCAGGGTTCCTTCCTTTCCGACATTGCCAAGTGTCGTGTGGAACCTG  
AGAAAACGAGACTGCTGGTTTTAGAAGCAGCTGATCAGTTGGATCGGTTAGGAAACAAGAAAGCACGTGGG  
ACAATTGCAATGGCCAAGGTTGCAGCTCCAATATGGCATTACAGATTCTGGACATGGCAATGCAAGTGCATG  
GTGCAGGTGGCTTGTCTTCTGACACTGTTCTTCTCATCTTTGGGCTGTTGCAAGAACCTTGAGAATAGCAGAT  
GGCCCTGATGAAGTACATTTAGGAACCATCGCCAAGTTGGAGCTTCGAGAGCCAAGCTTGAAAATTGAAA  
GGAAAAATTTTCAGGTACCATTATTAGAGGATGATGATGTTAGAAACCTAATAAAACCTGTGAGAGCATAAG  
GAATAAGAATAAGATAAAAGAAAGGAAGAAGAGAGGCCAAAAGCATCCGTTTTGCTGCAATAATGGAAAAA

AGTAGTATCGTTTTCTTTTATTATTATTACATTGAGTTTGAGTCAACTTGTTAACGTATATACTTACGACCAAG  
ACATCATAAGTTTGAAATTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2598 XM\_002875445|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pectinesterase family protein,  
mRNA

ATCGAGTGTCTAACTTGATTTTTTCGGTAGATCACATTCGTACTAATCAAGATGACAAAATCTAGAAGTAGAAG  
TAAGTAATTTGAATTTTTTTTAATAGAAGATTCCATCTTCTTGTAATCACCCCCAGTGCCACCTCAATCGAA  
GCAGAACATGGAAAAGATTAAATTAAGGAAAAGATAAAAAAGAACATGAGCTGTATCGATGAAATGTAATG  
GAATCGATCCCAAATTTGGTGTTCGCATTCCGCTCCGTTTTATTCTACATTTGGTTTGATCTTCATCTTCAAC  
AATCAACCCACTTCCCAACAACGCACCGGCACGAATTCATAGAGGATTTCTTCATGGCGGCCAGCCCAGG  
GTCCTCACTGTGGCTCACGACGGCTGTGCAGATTTCCGCACGGTTCAAGAAGCCATAGACGCGGTTCCATTCA  
GCAATACTTGCCGCACTGTAATCCGTGTGTCTCTGGGATTTACAAGCAGCCTCTATATGTACCCAAGACCAAA  
AATTTCACTACTTTCGCCGGTTTGAACCCTGAGACTACTATTCTCACTGGGACAATACTGCCACCGAAATTA  
CACCACCAAGCTGCTCGTGTCAATTGGAAGTGGGACTTTTGGTTGTGGAAGTACAATTGTGGAAGGAGAGGAT  
TTCATTGCTGAGAATATCACGTTTGAGAATTCTCCCTCAAGGTTCTGGACAAGCTGTGGCTATCAGAGTTAC  
AGCAGATCGTTGTGCCTTTACAATTGCAGGTTTCTGGTTGGCAGGATACTCTGTACCTACATTATGGAAGAC  
AGTATTTGAAGGATTGTTACATCGAAGGAAGTGTGGACTTCATATTTGGCAACAGCACTGCTTTGTTGGAGCA  
TTGTCATGTCCACTGNCAGTCGAAAGGCTTTATTACTGCAC

>trans\_c\_2599 XM\_002869159|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata carbonic anhydrase family protein,  
mRNA

TTCCAGATCCCATCTTCTTCTTTGATTGATTTTACACTCGTTTTCAGGGCTTTGTGAAAACTCCTTTTTCATTTAC  
AGGTAGATCTCTGCCATGGACATTGCTCTTCTGGTTCTTCAGTTTCACACTCCCTATTTCTCTTCTCTCTC  
TCACCAGCGCCAGAGGAGCTTCTTCAAGACCTCAGATATCTTTGAGATTAAGCTGAAAACAAGAAAAATGGAG  
CATACCCATTTGAAATTGTCCACCACTGTAACTGCTGCTCTGGGCTCACTCAGGAAGTTGAAAATAACAAAGT  
CAATGTTGTAATAGAAACAGAAAAGAGGCACGACATATTTGAGGAAATCAAACATCGATTTTGTAGCTTTAA  
AGGAATACATATATGAAAAATTTAGAACATTTTCAGCGTCTTCTGATGCTCAATCTCAAATTTTTTGGTGATT  
TCTTGTGCAGATTCTAGAGTTTGTCCCTCAAACGTTTTGGGTTTCCAACCTGGAGAAGCATTTCTGTTCGAAAT  
ATAGCAAACCTTGGTTATACCTTTTGAGAACGGACCATCAGAAACACAAGCTGCACTGCAGTTTCTGTTAACAC  
GCTCGAAGTTGAAAACATTTTCGTCATTGGTCATAGCTGTTGTGGAGGCATTCTGTCATTATGAGCATGCAA  
GATGAAAAACCGAGCTGTTTCATCACAATTGGGTTATTAATGGGAAAAGTGCAAAAATAAGGACAAAAGCT  
GCTGCTTCCACTCTCACTTTGATCAGCAATGCAACGCTGTGAGAAGGAATCGCTCAATAATTCATTGCTGAA  
CTTGCTGACATACCCTTGGAATTGAAGAAAAGGTGAAGAAAAGTAATCTTCCATTCTGTTGGGTACTACGAC  
TTTGTCGAATGTACGTTTCGAGAAATGGACTCTGGAT

>trans\_c\_2600 NM\_106618|Arabidopsis thaliana atnudt3 (Arabidopsis thaliana Nudix hydrolase  
homolog 3); hydrolase (atnudt3) mRNA, complete cds

TTATGCTTAAGAATATTTAGAGGCCAAGTTCAAGCATACTCTTCAGCCTATTGCTGATGCTTGATTAATAAAC  
GAGCAACGTGGGTTTGTGGATTTTGATTCTTATTTTACTCATGTAATTTGCCATGAGTGTGCCATGGCATTGG  
ACCTCATACCATAACACTACCGGATGGTAAAGAACTACCGTGAGATTGGAAGTCAAGAACTCCACTCGGCT  
ATGGAGGAGGCAAAAGCTGACACTGTAGGCCTTTGGGCACTGAGGTTCCCTTACCCTCCAGGGCTTGCTACCA  
GGAATGTCATTGAAGTCCGTATATACTACTATCCTAGCAGGATGTTTCCGGTCAGTACGTTTCGGCTTATCAGA  
GGCTCATGGAAAGGGACAGGCGTTTGCTGTTCAATTGGCTATATGAGAAAGAAGCCTTCATTTTCAATTCAGA  
TGAAACTTTTTCTGTTGATTTTGACAAGGTGGGAGATGCAGTTGAAAGCCTGAGTAGGGAAATACTAACCATA



CAGGCAAAAGGTGACAAGGAGTCAGCAAATTTGCTTCTTCAGAAATACGGTGTTATATCAGAACCATTGAAA  
GTAGCATTGCAAAATTTAGAACGAATCCAGGTACCCGTGGATATAGCTCCTGAGTTTCCGATTGCCGAAGAAG  
TATTGGGAAAAGAAGCGGCCCTTTTTGCTGAAGGACTACCGGAGGCAACTTGAATAAGATAACTATGGTGGTG  
TGTGATAATATTTTGCATGTACCTCCCATCTTTGGGGAGTAGTTATTTCTGTTAATAAAATGCATTAATATTTCC  
ATTGTCCATCAAGTTGAAATGGGGTATTATTGCTTGGTGTGCAATAATAAATTGGATGTATCTCCCATCTTTGA  
GGAGCGACTATATTTTCAAATAAAATGCATTGACGTTTCCATTGCCT

>trans\_c\_2601 NM\_180604|Arabidopsis thaliana Got1-like family protein (AT1G05785) mRNA,  
complete cds

GAACGAAACACGTCTCACGTGCGAACAGGTTCTTCCAACAACCATGTCCGACCATCACCGGGCAAATCCTTTC  
GATGTTATTTGAAATTAGTAGAAGCACTTTCATATATATCAAAACAATTGGAATTGGAATTTAGGGTTCTTGT  
TACAGCACATCTCGACGTCTAGCTATGAATTTCAATTGGGCAATTGGACGAATCTGATCTACTAATGTCCCAAA  
CTCTCAACCAACCCATCTAGGAGCTCAACTCTGTCCCACTCAAGGAACCATTGCTCAGTTTTGAACTATCGCTA  
TACTCATTAGTCTTGGGGAATTCGTGCAGTTAAGAAGTTCCATTTATTTCTGGTACTTCTGTGTGACTGCCT  
ATTTGAGTTCGACCAGTCAACACAATGGCCTATGAATTGACTGAGCAAAAACGAGTTGGACTTGGGCTGATTG  
GTTTTGGCTTCTTTTTCACGTTTTTGGCTGTAATCCTTTTCTTTGACAGGGGATTGCTTGCTTTAGGAAATATATT  
TTGGTTAATCGGAGTGGCACTTTTACTTGGTTGGCATTCTACATGGAACCTATTTACCAGTCGAGCAAATTACA  
AGGGTTCTGCATCATTTCTTCTCGGCCTCTTCTTCATTTTTGTTTCGCTGGCCCATAAATTGGCATACTTTTGGAGAT  
CTGTGGCTGTTTTGTTCTCTTTGGTGGTTTTTGGCCCTCAATTAAGGATTTTGTACCAGATTCCAGTTCTTGG  
ATGGATTCTTCCATACCCCATCGTGATTCTCGAAAGTCTGTGGAGAGGCTCTGGGTGATCACTTCAAATTTGTT  
AACTTATNGTCAAATGATAGTTGACACCACACCAAATTGATCACATGTAGATTTTCATCTTCAGAAGCTTTGAAT  
GGAATATCTGAAAGGTAGTACATGGATTCTTTG

>trans\_c\_2602 NM\_001061367|Oryza sativa Japonica Group Os05g0186300 (Os05g0186300)  
mRNA, complete cds

CCGGTCTGTTGCTAGTGGTTATTCTTTATTGCGTGATCCGATCTACAACAAAGGCCTTGCCTTTAGTGAAAAA  
GAAAGAGATGCTCATTACTTGCCTGGCTTGTGTCACAGCACTTCTTGATCAAGAGCTTCAGGAAAGGAGGA  
TGATGCATAATCTTCGCAACTATGAAGTTCATTACACAGATATATTGCGATGATGGATCTTCAGGAGAGAAA  
TGAAAGGCTGTTCTACAAGCTTCTCATTGATAATGTTGAAGAACTGCTTCCAGTTGTGTACACTCCTACCGTAG  
GCGAAGCTTGCCAGAAGTATGGGAGCATTTATAGACGACCTCAAGGCCTTTTCATCAGTTTGAAAGAGAAGG  
GCAAAATTCTTGAAGTTTTGAAGAACTGGCCAGAAAGGAACATTCAAGTTATTGTTGTTACCGACGGTGAGCG  
GATTCTAGGCCTTGGGGATCTTGATGCCAGGGCATGGGGATTCTGTGGGGAACTTTCTTTATATACAGCA  
CTTGAGGAATTCGACCCTCAGCTTGCTTGCCTATAACCATTGATGTTGGTACAAACAATGAGCAGCTTCTAAA  
TGATGAGTTTTACATTGGCCTTCGGCAGAAACGGGCCAGAGGACAGGAATACATGGAACTTTTAGATGAGTT  
CATGTATGCAGTAAAGAAGAACTATGGAGAGAAAGTCCTTATACAGTTTGAAGATTTTGCAAACCACAATGCA  
TTCGAGTTGCTTTCAAGATATAGCTCGTCACACCTTGTGTTCAACGACGACATTCAAGGTACAGCATCTGTCGT  
CGTAGCAGGACTACTTGAGCTCTTAACTTGTGGAGGGACATTAGCTGACCACACTTCTTATTCCTTGGAG  
CTGGAGAGGCTGGAACCTGGTATAGCTGAGCTTATTGCTTTGGAGATC

>trans\_c\_2603 NM\_001059772|Oryza sativa Japonica Group Os04g0502900 (Os04g0502900)  
mRNA, complete cds

CCTTCTCTTTGGCTATTTTCAGCTATGGTAAAGTAAATGGAGAATTAACAAAACAAGATTTCCAACGAGCAGCT  
TCCCAAGTGTGTGGAGTTTCAATCACTAAGAATGTTGTTGACATAATATTTACATATTTGATGCAAATGAAGA  
TGGGGATTAAAGCTCAGATGAGTTCGTAAGAGTCATACAGAGAAGAGAAGTGAATTCTTCAACACCTGCTGTT

GGTGTGGAGGACTACTGTCTTGTTGGTTAGCTGTGCAGCTAAATGTTCTTCCGCAAAGCTCTTTGTTGCGAG  
CTGAAGAATTTGTTGCCCTAATGATGTTCTGTAAACATGTAAATTTCCGACATGCTGATATACTTTCTAGTGG  
ACTATGTTCTTTAGGGATATATTCATTTACAAGATTGATCTTCGATTTTAAGTTCAATCAAAATAAATAAATTAC  
AAAACCTCGTTTCTTATTTTAAAAACAAATGAAGAACGGTAGCAGAAAAGTGATGAACAAAAGATACGCG  
GCTCAGATATGGAAATGGGGCAAAGCAGAAGAGGCCGGCCATGGCGGCGAAAATTAGCAGAACAGCCAGAT  
CGCCAAGCCCATGGATCGGACCTCAATCACTGTTGCCCTAAAACCTCACACTCCGAGTTTGACACCATCGTCA  
TAGCCTTGGCGTTTAGAGAGAGAGAGAGAGAGACAAAGACAGAGACAGAGACAGGCATCATTATATATA  
TATATATATACATACACACACAGAATGGAAGAGAAAGAGAAAAAGAAAGAAGAAGATGAGAGAGTTCGG  
AGGGGAAATCACCGATGCCGCGAGACAGAGCGAGGAAAAGAAGGAAGTTCTTCTCTCCAATCGCTCTGAA  
ACGACGGACGGAGCATCCTCATTCATGGCGGAGTGTGAGGCCGAACCT

>trans\_c\_2604 AB264280|Prunus persica PpARF/XYL mRNA for arabinofuranosidase/xylosidase  
homolog, partial cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGTATAACATAATACCTTCATTAAGAAAACGAATTTACAATTTAAA  
AAACTAAATAAACAGCCCCTCGCAAATTTGCTGCGTTTGAGGCACGATCGTACTTTCAATACCAAACATCTTAT  
AATCACAATTACTTCGAATTTTCTTCTCAGCCTATTTGATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTATTTACAA  
TCAATTCCTCAATTCACCTTTTTAATTACTTCTCTGTAATTTAACGTAAATTATTGCAAAAACACCATCAAGGTT  
TACGACAGTGTTACAATCAATCAGAATTTAATATCCTGTAAATCAGCGTGAAGTGAAATCGAATGAGTGAGA  
TCACCAATATGTAGTTTATGCTCACCAGTCGGAATTCCTCGAGTTCCAAATTCATCAACTCGGCTGAGATGATC  
GCAAACATGGATACCGATTGAACTCGCTTCTGAGATCCGGCCATGAGATGAACCTTTTGAATCCGATCAAG  
TGCTTTTCCGGCGACCAGATCGGGTTTCGGAGCGGTTGAGAAGACGAGAATGGTGTGAGATCCGTCGACGGTT  
CCGGTGTTCTTCACGTCGACCTGAATGGGGAGATCGGACACGGAGGCGCAGTCGGTGTGAGAGACTTTGACT  
GCGGCGGAGGAATTGGGGGAGAGACTTGAGAGAGGAAGTGAGATTTTGTGGGGCTTCCGCTATGGAGTG  
GGAGAATTTGAGTAGCTTAAACCGAACCCGAATGGGAATACGACCGGGCCCTGTAGAACCGGTAGGTTCCG  
ACCAGGATAACCGGTTGATGGGTCGGGTCTTAGACCCATGTTTGTATTGGGACCTTTGCTAGGTAGCTTTGT  
GGGTACCAAGTCATTGGCAATTTTCTCCAGGATTAGTA

>trans\_c\_2605 AY108084|Zea mays PCO147505 mRNA sequence

AACCGAATATTATTCTACGCTATCCTGGAGGCTGGAATATCAGCGTCCTATTAAGAAAGATTCAAAAAAGATTCA  
AAATCGCACGCAACTCGCTAGAGGGCTAATCTCTCTCTCTATTTTTCCCAAATTGAAAACCTAATTCATTC  
CGTTCTCTCCATTTTGTAGAGTTGAGCGAACGCAATCGAAGCACCATGGTCTTCTATTTCAAAGCCCGGCCGA  
CGTCGGCGATTACACCATTTTCATGGGACTCGACAAGTACGAGAACGAGGAGCTCATCAAAATACGGCTTCATC  
GAGGATATTTGGTTCCATGTGGACAAGATGTCATCTGCCCATGTATATGTGAGACTGCAAAAAGGGCAGACC  
ATTGATGATATTAGTGAAGGGTTGCTGGAGGATTGTGCTCAGCTTGAAAAGCAAATCTATTCAAGGAAACA  
AGGTGAACAACATTGATGTTGTGTATACACCTTGGTCCAATTTGAAGAAAACGCTTCGATGGATGTTGGCCA  
AGTTGGTTTTTATAACCCCAAGATGGTCCGAAGTGAAGGGTGGAACGATCAATGACATTGTCAATAGA  
TTGAACAGAACTAAAGTGGAAGGAAGCCTGATTTGAAAGCCGAACGAGAAGCAGTGAATGCAGCTGAAAG  
AGCAGAGAGGAAGCAACACTTGAGAGAAAAGAAACGCCGCGAGGAACTAGAAAGGTTAGAAAAAGAGAGG  
CAAGCAGAGTTAAGGAGCTACAAGGGATTGATGGTTTCTGAAAAGATGACATCTAACAACAGATTGCAGCA  
ACAAGCAAATCACTACAAGAGCTGGAGGATGATTTTCATGTGATCTAATTGATCCGCGGTTCAAATGCTGCCAA  
AAACTAGCAGCAGCTAAACTACTCGTCCGTAGAGATGGCCATCTGCGAATC

>trans\_c\_2606 NM\_001063140|Oryza sativa Japonica Group Os06g0114600 (Os06g0114600)  
mRNA, complete cds

ACAGAGGTGGGAGGTTTTGGGCAATGGCGGGTTC AACCGGCGCTAATTCTTCTCCAATTCTTCTCCTGCTCCT  
CCTCCCCCAAATCCTCCTAGCAAAGCCTGGTCTCGTCCCCGGCGGACCTATTAGCTCTAAGATTGGACGTGG  
CCCCGGCGCCGACGACGAAGCAGCTTCCATTCGCTCCCGTCTTCTTCTTGGATCCCTTAATCTTCTCTCCGA  
TTCCTGGGATCTCCACATTGACCGTTTCTCCCTTTTTGACTGAGAATACGGAGTTCAAGGTGGTGGGGATAA  
TTGGTCCACCGGGAGTTGGTAAGTCGACGATTATGAATGAGATTTATGGCTACGATGGAAGTTCTCCAGGTAT  
GCTACCACCATTTCCAATACTATCTGAAGATGTTAGAGCAATGGCTAGGCATTGTACATTGGGTATTGAGCCCC  
GAATTTCTTCTGAGAGGATTATACTTCTGGATACTCAGCCTGTGTTCAAGTCTTCGGTTTTAGCTGAAATTATGA  
GACCTGATGGTTCGCTCACTGTTTCAGTTATTAATGGAGAATCTCTATCTGCTGAATTGGCTCATGAAC TTATG  
AGTATTCAGGATAATTTTAGCTGGGCATTCTTCTAGCGTCCATTTGCAACATTGTTCTTGTGATATCAGAGGGA  
GTTTCATGATCTAAATATGTGGCATTGATGTTAACTGTTGACTTACTTAAACATGGCTTGCCTGACCCATCTTCT  
CCTATTTCTTCTCATGCACAAAATTCTAATGTAGCATCTGAGAAAGAATACAAAGAAAAAACTTCTACAAGTG  
AAGAAATATTTGGCACTCCCATCTTTTTGTCATGCCAAGTGCAAGATCGAGATCTTGTTCCACACAATATCTTTG  
CACTGAAGAGAGCATTTGCCTACTATTTTAAAAAC

>trans\_c\_2607 NM\_119358|Arabidopsis thaliana calcium-binding EF hand family protein  
(AT4G32060) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAAAAATTAATTCATTCAAACACAAAAGCCCAACTAACTTTTAAAAAACCGTTTAT  
CACAAATGGGCGAAGTCAAAGCCCCAATTTTAGTATCCAAC TTTGCTAAAGCTATTAATCTCTCTTTTGTGT  
CTCTGTCTCTCATTTTGCAAATTTCTCCTTCCATTACCTTTTCTTGATGATATTTGGAAGAACCTCAAGGTAGA  
TCTAAAGCATAGTATGTTTTCTTCGACGTTTTTGGTTTTCAAATCTTCTAAGTCGATCTGTAGAGTTATACCTTCT  
CAACACCTTACTGTTGTTTTCTCAACAATCAACTTGGTGGCTCTT TAGGATCGCCATCAACATCCCCATTGTCT  
TCTTCTTCGTCGATCACAAC TCAACAACTGGCTGCGGAGGCGAGAATAGAAGAACTTTGTATTTGAGTTCTT  
GATCAAATTGATTTCTTCAGGGATATTGATTGGCGGAGTGGGATCACTTCTCAGCTCCAATTCTTCCACGTCCA  
ATTCGCATTTATCGTTTGCTGAATTCCTGAAGGGGAAATATATATGAGACCATCAGATCTGATGAGGGCCATT  
GTTCTGTATTTCTCCATCTGAGTCCAATCGTGTTAGAGAAGGCTTTCTAAGAGGAGAAAGAAGAATTTCTG  
GAGAACTATGTTGTGCTCCTTCCAAGTTTTTCATGCTTTTCGACACCAACAATGATGGCCTCATCTCTTTGCG  
AGTAAGAATTCGACCCTTCTTCCAAC TCCATGATAATTTGCACAACCTGCTGTTGGTGTGGAGGACTACTGTC  
TTGTTGGTTTAGCTGTGCAGCTAAATGTTCTTCCGCAAAGCTCTTGTTGCGCAGCTGAAGAATTTGTTGCCCTA  
ATGATGTTCTGTAAACATGTAAATTTT

>trans\_c\_2608 NM\_001186326|Oryza sativa Japonica Group Os03g0138400 (Os03g0138400)  
mRNA, complete cds

AGCTTTGTTTGCTTGGAATTTTAGATCGGGGGTTTTACTTTCCGAGAAGGGGTTTTTTTTTATGGGGTTGTTG  
GGTTCATAAATTTTGAACCCGCGAGCGTTGACCCAGTTGCGAAATCGCAGTTTCCCGAAAAAAAATTTCAAT  
TTCTTTTTCATTGGGGTTCAGATGAAGTGGATTCTGAGATGAGTCGATT CAGAAATCCCAAATCTGGGTCCGA  
TTTTTGGTGTAGTTGATAGGGTAAATTTTCGATTGGATTGTAGTTAGCGACAGTTTTGAACTATGGATGGCGA  
TTCTAAGGATGTTAATGGCTGTAAAGAGAAGACTATGGACTCTGCAGCTGCCGAGAAAGTTGGGGATCACAG  
TAACGGCGAAGAATACAGTGAACCGAATGCCCTATTGCCGCCGCGCCGCGGTGGAATGTCGAGGAAATTGAA  
TAAGCCGAGGATGAAAGTTCGGTGGAATGATAGTAATGGTAATAACCTAGCAGAGATTTTGGAGTTCCAACC  
AAGTGACGTGAGCGACTCCGGTGACGAGGAGGCTGATTCTTGCACTGTATAATTATGTAGATTATTACATCA  
GATATTAGTATATAATGACAAGAACAATGTGGTTGCTTTACGACTAAACTGATAATAATTGGAGATGTTTCTGA  
CTGTATACCAGATTGCTGTGCTACTACAACGACTGCCAGAGACGTTCAAAGATCGGTTCAATGATATGTTGTTA  
CACCAAGCAGTTTCTCGGATGTGTCCAGTGACATCTTGTACTGTTTCGGTTTTTCCAAATTAGTAAGATGAC

CTCCAGGTGACAATATACTATATGGATGATGATCATATATATTGATAATATTAAGTGAAACATTGAGATTAGT  
TGAGCTTTTGACAGTGCAAATATACATTGTGTAATGCCACACT

>trans\_c\_2609 XM\_002331883|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

ATATGCAAACAAGTTTTACTTTGACTTCTCAGCAACATATATTGGAGTAGGGATGATTTGCCCTCACATAATAA  
ATGTTTCGGTGCTTGTTGGAGGAATTATCTCTTGGGGCATAATGTGGCCTCTCATAGAAGAAAAAAGGTCA  
ATGGTATAGTGAGAAATTGAGGTCAGATGACCTAAGTGACTTGAAGGTTATAAGGTATTTATAGCAATAGCT  
ATAATTCTTGGTGATGGCTTATACAACCTCTTCAAAGTACTGACTCGGACCCTCTCCGGCTTGTTGACCAACTT  
CAACGTAGAAGAGAGAGTGAAGATTTCTCCACGGAAAATTCATCAAGGTCTGAGTTATCTTATGATGATGCAC  
GAAGGAAACAACTTTTCTCAAGGACCAAATACCAATCTGGTTTGCCATTGGAGGCTATGTTGTAATAGCTGT  
AGTGTGCGATAAACACTCTTCCACACATCTTTCCCAGCTAAAGTGGTATTATATCTTTGTCATTTACATCTTTGCT  
CCTGTCTTGGCCTTCTGTAATGCATATGGATGTGGACTCACGGATTGGTCTTTGGCATCCACTTACGGAAAGCT  
TGCCATTTTACAATCGGCGCATGGGCTGGGCCCTCGCGTGGGGGAATTATTGCTGGTCTATCGGCTTGTTGGG  
GTAATGATGAATATCGTCTCGACAGCCTCAGACCTTACGCAGGATTTCAAGACTGGCTATCTAACTTTAGCTTC  
ACCTCGCTCCATGTTTGTGAGCCAAGTAGTAGGCACAACAATGGGCTGCATTATTTCCCCTTGTTGCTTTTGGC  
TCTTCTACAAGGCATTTGATGATCTTGGTCTTCCAATGGTGAATACCCGCCCCTAATGCCGTTCTCTTTCGCA  
CATGTCTGTGTTGGGTTGGTTGAAGGTGCTTTCAGCCT

>trans\_c\_2610 AY105017|Zea mays PCO140238 mRNA sequence

AAAAGATTTATCACGATCCCTACTCCTCTTCTCATAGAAAAAACCCCTCCTCCTCGGTTTAATTCTCATCTCCGG  
CCCACTCCAGTCCGGCGACACCACACGACGAGCTCCTCACCGGCACTTGCGTACGACTGAAGACCCCCGAT  
CGCAGCAGCAACCAACAATCGGTCGTAAGCTTCTGCCCTTTCCATCTCTCTCCTCGTTCATCAACTAACGGCCC  
ACGGCATCTGCGCCAAAACGCATATCAGCAGCCGAGAGCCATATTTTCTCCTTTCTAAAGGTTTATACCAAT  
GGAACAACAAAAGAGAAACCATCAACTGCTGCAAACCCACCCATTCTTCTTGTGAAAGAAGAAAAATGAA  
GAAGCTACATTTCTGGAGGATTGAAGGATCACATCGACGAATTCATTCATGCATCAATGGACGAACACAAAT  
CATGCTTCAAAAAGACTATCAACAAGATGTTCCGTATGTCAAAGTTGTGGCAGATAGGAATTCAGAGACAAA  
TGGAGTTGAAAGTTCTCTGCCTCTTGAACAACAGTATCAGAATAAATTCTTTTTCTCCTTTGTTCAAGTATA  
GTTTGTCTTCATCTTCAACCAACACCATGAAGTCTCATGATTCTTGTTTTGATTTATTTCTACTGCTTATAGTCC  
ATGTGAATCGTTACTGTTGTTTGTGTTTCCCTTGATGAGCTATAAATAGTTGTTATATTTGCAAAAAGAACTG  
TGTTTGGATTTTCTTGTTGTTTGTGTTTACCTCTTGATAAATGAGAGTTTGTTAATATTAAGGGCTTAACGTGT  
TGTTTCTTAATTTAGCTTTTGTGATAAACATGTTTTGAACTGGTCAAACTATAAATAAGTATTTGGTCCCTG  
ATTTTGATCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2611 BT011963|Arabidopsis thaliana At3g53940 mRNA sequence

AACGCAGTTTTCTGAAACCTAGAACAAGACACAGGAAAAGCAAGGCTTTTACTCTCTCTCCCTCTTCGCTGC  
AACTTCCACTTCCAGTTCTTCTAGTGCTTCACCACTTCATATACTCTGATTTTAGCTTTCTTTTCTCCATTTTCT  
CTTCTTGATCTCTGTTTCTTACTATTTTTTTCTTTACCGTATTCAAGATTATTGATCAAGAGGGTTTAGGTTTA  
ATCTAACACATGAAACGGAGGCCAGGGTTAGTGAATGATGGAAGGAGGGCAAAGAGCTCTCAGTTCTGCT  
CATGGTGGGGTGTTTCTGTTGAGGGAGGTACCAGAAATTCGCTCCTAAAAACAACAGTCGTTCAACTAT  
CGCAGATTGGGACGGTGTCGAGCTTCTCTGGAGGTGTTGCTGGTGCTTTTAGTAAGACATGTACCGCGCC  
ACTTGCCCGCCTTACCATTCTATTTAGGTGCAAGGGATGCACTCTGATGTAGCATTGCTGAAAAAGCCAGC  
ATATGGCATGAGGCTTACGAATCATTACGAGGAAGGAATAAGAGCTTTCTGGAAAGGGAATCTTGTTACA  
ATTGCTCATCGTCTACCTTATTCCTCTATCAATTTCTATGCATATGAACACTACAAAAAGTTACTTCACATGGTAC  
CAGGTCTTGACCGTCGTAAGGATCACATGAGTGCAGACCTTTTAGTTCACTTCTGGGTGGTGGCTTGGCGGG

AATTACAGCAGCATCAAGTACATATCCGCTGGACCTCGTAAGGACTCGCCTTGCTGCTCAGACAAACGTGATC  
TATTACAAAGGTATTTTGCATACTCTGAGGACAATTTGTAGAGACGAGGGTGTCTAGGTCTTTACAAGGGAC  
TTGGAGCACATTACTGGGTGTGGGCCCCACATAGCTATC

>trans\_c\_2612 XM\_002870265|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATBS14B, mRNA

ATTTGTGTTATGTATATTTTATTTTCCAATTAAGCTGAAATTCTGGCCGAAGAACAACGCTTTTCGCTGGACTG  
ATCCCCGTGATGAGTTACAGAAGGGAGCACCGTTCTTCTAGATCTGCTCTCCTTGATGACCTGGAGGAGGGC  
GGTCTGAGGACTAGCTCTTCCGTTGAAATTAAGAGCATGACAATAACAAAGCCCTCCATACTTTGGAAGATA  
GAGTTTCTATTCTGAAAAGGTTGACAGGTGACATTCACGAAGAAGTGGAAAGTCATAATCATTTACTTGACCG  
AATGGGAAATGGCATGGATGCTTCAAGGGGTATAATGTCAAGAACCATGGATCGATTCAAGATGGTTTTCGA  
GCAAAAAACGAAGTGGAGAACTTGTAGACTTGCAATTGATTTTATATTGTCCTTCTTACTTTTTTCTATCTCAT  
CAGGTTCTCAGATACTTCATGCAGAGTTGAAGTAAGATTTCTATGTTGAATCAACTCGAAGCATTGCACGACC  
GTGACAACCTTGCTTAGACCTGTTTCTACAAGAACACTGAAATACATACCATACTTTCCTGCGGTACAAGATT  
TGTCAAAATGCATAGTTTCTGCTTCGAAGGAGTGGAAACAGATGGTCATTCTTTAATCACTATTCTTAATTTATT  
TTTTTATGGGTTAAAAGCGCATATCCGTCAGTTAGGTATATTTCTTGATTTAAATCATGAGTATATTTGCTCA  
TGCTTTTAAAAAGAAATAAGCTTTTATTTTCAGGTTAGTACAGGACACACTGTCTCATTGACTCCCATTTTGAAT  
CAGTATATTTGGAGAGGTTTGAAACTGGATTTTTTCTATTGACCTAAACTAAATTAGAACCATTAGTTGCAATT  
ATCGGACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2613 NM\_119309|Arabidopsis thaliana UDP-glucuronic acid/UDP-N-acetylgalactosamine  
transporter-related (AT4G31600) mRNA, complete cds

GGTTTCTCCCCATTTTCTATACTCTTCAAAACCCACTCTCTTCTCCTTTTACTTTCTTGCTTTCCTTCCAAGTTT  
CCAATTCCCACATGTTCCATCCCTCTCAATTCATGGACTGCAATTTACAGGTGATTGTTTCTTTTGACCCATT  
GTCGGTGGTTGATTGGGGAAGTTTTTGCCGGTTTATTTTCTGATCTAGCCATCGACAATGGATATTCTCGGTG  
ACCCAGATAAGAATCTTATCGGAGTCTGTAGCGGCTGTATCTTATGGAATTGCTTCGATGGCTATGGTTTTT  
CTTAACAAGGCTGTACTTATGCAGTACTCACATTCAATGACCCTTCTTACTCTGCAGCAATTGGCAACCACATTG  
CTTATTCATTTGGTAGAAAAATGGGTTACACGAAAGCCAAGGGGCTTGACATGCAACAGCTAAGAGAATTT  
TTCCTGTCTCATTGTTCTATAATGCAAATGTGGCGTTTGTCTTGCTAGCTTGAAAGGGGTAAACATCCCAATGT  
ATATCGCCATTAAAAGACTCACTCCTCTTGCTGTTCTGATTGCGGGGTTCTTTTCAGGGAAGGGAAGGCCAC  
GGCACAGGTTATTTGTTCACTACTCTTAAGTCTGCTGCCGGGGTCTTGTGCTGCATTGGGAGATTTTTCATTG  
ACCTTATTGGTTATAGCATGGCCTTCACTTCTGTTTTCTCCAGACTATGTATCTTGTATTGGTGGAGAAGTCAG  
GTGCAGAGGATGGGCTTTCGTCTATTGAGATCATGTTTACAACAGCTTTTGTCTCTTCTTTCTGTTATTTCT  
GATTTTATCCACGGGTGAAATCCCAAATCTTATCTTTATTATTGCAAAGAGTAATTCATTCTCCTTTTGGTT  
CTCTTCTCCTTTCATTGTTGATGGG

>trans\_c\_2614 NM\_001069734|Oryza sativa Japonica Group Os09g0420800 (Os09g0420800)  
mRNA, complete cds

AAAGGCGATTAGTCCAAATTTCTCAAACACTTCCAATTCTCCTTTCCTTATCTTTGTTACGAAGAACGTCGGAAG  
AAAGAACGAAAGAGCAAAACGATGCAGATCTTTGTCAAACCCCTAACTGGGAAGACGATCACGCTCGAAGTC  
GAGAGCAGCGATACCATCGATAATGTCAAAGCCAAGATCCAGGACAAGGAAGGTATTCCTCCTGACCAGCAG  
AGATTAATTTTGTGTTAAGCAATTGGAAGATGGTGAACGCTTGCAAGATTATAACATTCAAAAGGAGTCAA  
CCCTTCACTTGGTTTTGAGGCTTAGGGGAGGTACTATGATTAAGGTCAAGACACTGACCGGGAAGGAAATTG  
AGATTGACATTGAGCCAAGTACACAATTGATCGTATTAAGGAGCGGGTTGAGGAGAAAGAGGGGATTCCCC  
CTGTACAGCAAAGGCTCATTTATGCCGGTAAACAGCTTGGAGACGACAAAACAGCTAAAGACTACAACATCG

AGGGTGGTTCTGTTCTCCATCTAGTGCTAGCCCTGAGGGGTGGTCATCTGTAAAAGCATTATCTATCACCTCC  
TGAAATGCGGAATTTTGTGTTTTGTTTTGTTGGTGCTTGATGAATGCATGAGCGGCATCTTTGCTTGTGTGT  
GGATAAATGGAAAATATTTGAGCCCAAACCTTAACTCTCTTATCAAATTACTCTTGTAATAGAGAGATTTTCATG  
TCCTGGGTATCTCCATCTGATACCCATCTCTTTCAAGTTC AACATTAAACCATTGGTGTGCGTGGAAGGAGG  
AGTTTGTAAAATTTAGTCCCAAAGCTTATCAATTTTTATTGGGGGAATGGAAGCTTAATTATCTCTCTATTGTT  
TTTACTTAATTTGCCTAAAAAAAAGAAAAAAAATAAAAAAAA

>trans\_c\_2615 AF349961|Daucus carota ribosome protein L23a mRNA, complete cds

AAACCCTAATATATAAGCATCATCTTCTCCCTAGGTTTCGGATAGCGGCTTCTTACTCTGGTCGGAGTAGCGA  
TTAGGTAGAAGGGCTCTGCAATGGCTCCAAAAGCTGACAGCACCAAGAAGGCTGACCCTAAGGCTCAAGCCT  
TGAAAAGCTGCTAAGGCAGTAAATCTGGCCCAACATTTAAGAAGAAAGCCAAGAAAATCAGGACGTCCGTCA  
CATTTACCGTCCAAAGACTTTGAAGAAGGAAAGAAAATCCTAAGTATCCACGCATCAGTGTTACTCCACGGAA  
TAAGTTGGACCAAGTATCAGATTCTTAAATACCCTCTGACTACTGAGTCTGCAATGAAAAAGATTGAGGACAAC  
AATACTTTGGTTTTATTGTGGACATTCGTGCTGATAAGAAAAAGATCAAGGATGCTGTGAAAAAGATGTATG  
ACATCCAGACCAAGAAAGTGAACACGTTGATCAGACCTGATGGAACCAAGAAGGCATATGTTAGGCTGACTC  
CCGATTATGATGCTTTGGATGTTGCAAACAAGATCGGAATCATCTAAGTTAATTAGAATTTGTTTTTGTGTTGA  
GAAAAGCTGATTATCTTTCTGCAATGGGAATTTTGATTTATGGAATGACCTCTATTTCTCCAGCAAATTAGTAAG  
ATGTTTTCTTCTAAGCTATTGCAACACATGTTGACTCGTGAACCATAGGATGTGTTCTTGAATCTCTTCTGTAGT  
TTGCAATTTTAGCTCAAATGACTTCACTTATTTCCATTTACGAAAAATCCAGTGTGAGTCTGGCCTCTCTTGG  
TTGCTACTAAACCTGCTTGGTGGTGTACCCCTTCAAACCAAGAATTTTAACCACTTTTTCTCGGTCTGTACTC  
AGAAATTATAATTGACTTTCATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2616 NM\_001072889|Oryza sativa Japonica Group Os12g0197100 (Os12g0197100)  
mRNA, complete cds

CCCCTCTTCAAGGGGAAAAAAGTTATACTTTTACTAACAAATTTCAACTAGCTTTGAACCTACACTACCTCACT  
CTCTTCTTCTCAACACTTCACTCTCCGTCTCTCCCTGAATTTTACGACAAGGTTCAAGTTTTAGGGTTGATTTT  
GGAAGAAGAAAGCTGTAGAGAGTTATGTCTTGCACTTTTAACTTGGAGGAGGGTCGCTCAAGTTTTGTA  
GCATTAATAAAGGCAGCCAAATAAAGAATCATCTTCGGTTCTTTAATGGGTTTGTCCCAAATGGTCGATGCAAT  
TTAGTCTCTAACTCTGCAATGTCTTCTCTGTTGGTTCCCTCAGCTTCAGTTCTTCCACCTCCGGATTTTCAATT  
CCACAATCGTTACGTTTCTCTCCCATGTCATCACTGCTCTACTTTAACTCAGAGGCGTCAATCTCTTCTAAT  
AAAGCAAATGATGAACGAGTTATTGTATTGGTGATTGGTGGAGGAGGGCGAGAACATGCTCTTTGCTATGCA  
TTGCAGCGCTCTCTTCTGTGATGCTGTGTTTTGTGCGCCAGGCAATGCTGGGATTTGAGCTCAGGCAACG  
CCACTTGATTCTGAGCTTGATATCAATGATAGTGCCGCTGTCATTTCTTCTGTGCGAAAATGGAATGTAGGA  
TTGGTTGTTATAGGCCCTGAGGCCCTCTGTTGCAGGGCTTGCAAATGATTTAGTGAAGGCTAGGATTGCTA  
CTTTTGGCCCCTCATCTGAGGCTGCTGCTTTGGAAGGCTCCAAAAATTTTCATGAAGAGATTGTGTGATAAATAT  
GGAATCCCCACTGCAAAGTATCAATCATTTACAGACCCTTCTGCAGCAAAACAATATATTCAAGAACAAGGTG  
CCCCGATAGTCATCAAAGCGGATGGATTGGCTGCT

>trans\_c\_2617 AF361850|Arabidopsis thaliana AT5g49540/K6M13\_9 mRNA, complete cds

AATCTACCATTTACCATAACAACAAATCGCGTCCTGATTTCTTCTCTCCCTCTCCATCGCTGCCATTATCGGTGCG  
CCGGCTCCCTTCCATCTTCCGTTTTCCGGTCTTTAACTTCAAGTATACGCGCGCCAGAATTTATGGCGGGATAC  
TCCTCCACTGCTTCTGACAAGAAATCGTCTGATTCGGCCGACGATATACCGATCTTTAATGCTGAAAATTTGCA  
AAACAACCTGAAGATAATATATTACAGCCGACGTTTTTGTCTATAATTGGTGGAGTCATTGCTGGAATTTTGG  
GATTCATGGCCTGACTGGATTATATTTTATTTCTAGTCATGGCAATTACTTCAGTTGCACTTGCAGCTAAGG

CTGGGTTTTCTTTTCATTCATATTTTGAAAGCTGTAACCAGATTCTACTCGATGGCTTTCTGGGAGGACTTATGT  
CGTTCGTGCTTTTCTGGACTTTTGC GTACGATATCGTTCATATATTTTGAGGCCAAATGCTGGCAGGAATTGGA  
AATTCTAGAGGTAGCTGCAGCTCTGTACACTTCGACTCGAGACTGGGAGTTCCAAAGGAGTAAATGAACTTTT  
GTCCTTCAAAAATGATAACTAGATTGAGTTTTATCTTTGACCCCTTTCACCTTAATGATAATTGTGGTAAGTTT  
CTTTATAATCCTTTCATTACTATGTTTAGAATCTGAGAAGAGCGGGGCATTTTCTAGTGACGGGCAGAGATTTT  
ATTTATTCTTTCTAGTTTTACAAGTTTCTTGAGCTTTTCGTTCTCGAACCGATATATTTTAGTTCATCTGTGTTCTT  
ATAAATAGTTCACGGCAATTCAGGACTCACAATGGTAGCTTTCTTGATCGAAGTGATCATTAAATAAGCCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2618 AY104932|Zea mays PCO147149 mRNA sequence

ATCTTAACCATTCGCCTTCTCCCTGAAATCACTCCCTAGATTCTCTCCATTCCATTCTTCAACTTCTCCCTCTCTC  
TATATACTGATACTTGTCTCCCGCGGCGGCGATTCCCATGTCTGGAAACGAAGTTCTTCGACGCTGCGGCC  
GCGACGGAGTTGGTGAAGGAAGTTAGAGCTATTTTATCTCCGGCAACACTCGGAGCTATGAGTGGAGAGTA  
TCACAGCTTGAGAGCCTCTGAAGCTCTGCGTTGACCATGAGGAAGATATTGCGATGCGCTTCGCTCTGACC  
TCTCCAAGCCTGCCTTGGAGTCCATTATTCACGAGATAGGTATGGTAAAAGGTTCTGTAAATTGGCAATTAA  
AGAAATAAGAAATTGGATGAAACCAGAGAAGGTTCAAACATAATTACCAGTTTTCTTCAACTGCTGCAATT  
GTACCAGAACCTTTGGGTGTTGTGCTGATCATTTCTCTTGAATTATCCATTCTTTTTATCTCTTGATCCAGTTA  
TTGGAGCAATAGCAGCTGGTAATGCCGTGGTTCTAAAGCCATCAGAAATTTCTCCAGCAACATCATCTTTAATT  
GTAAACTTTTTGAGAAAGTATTTGGATACGTCTGCTGTAAAGTTGTCAAGGGTGCTATCCCGAAACTAATGC  
TTTGCTGGAGCAAAAGTGGGACAAGATATTTACACAGGCAACGGTAGAGTGGGGCGTATAGTTATGGCAGC  
TGCTGCCAAGCACCTTACTCCAGTTATTTTAGAGCTCGGAGGAAAACTCCAGTAGTAGTTGATTCAAAAATCA  
ATTTACAAGTTGCCTGTAGACGGAATATATCTGGAAAGTGGGGTGGTAACAATGGACAAGCTTGCGTTGCTCC  
TGATTACATCATAACTACGAAAGAATTTGCTCCAAAATTG

>trans\_c\_2619 AB552922|Glycine max mRNA for pyruvate dehydrogenase, complete cds

AAAGAAAAGAAGAGGCAGCATCAGCACCAATTCAATTCAATTCAATTTCTTAAAGGACACACCCACC  
ATTATCAACTCTTCAAGCTCGATTTTATCTCCATTCTCTTTTTCTCCGCCCCCATTTCTTATAAATCCCTCCTTT  
CCTTTATTCATCTTCCCTTCCGTAGATCCCAAATGGCCACTGTTTTCCACGCCCTTGGAGCTGGCTCCGCTTTGT  
CACCTCCCAACTCCTTACATTCTTCCAACACCTCCCTCCTTCACCTTCCAGATCCCTCTCTTCTTTTGGAGAGAA  
AGGTCGTTTTCTTTATTGTTGATCTGACGGAAGAGGAGCTAACCGTGCTTTTACCCCTAGATCTCGCTCCCAGC  
ATTTGATCACTAATGCAGTTGCGACCAAGGCTGATACTTCATCGGCTTCGACTACATCGAAACCAGGGCATGA  
ACTCTTGCTTTTTGAAGCACTAAGAGAAGGTTTGGAGGAAGAAATGGATAGGGACCCACGTGTTTGTGTCATG  
GGTGAAGATGTGGGTCACTATGGTGGTTCTTACAAAGTGACTAAAGGTCTAGCTACCAAATATGGTGATCTTA  
GAGTTCTCGATACGCCTATTGCCGAAAACCTCTTCACAGGTATGGGCATTGGAGCTGCTATGACGGGGTTGAG  
GCCAATTGTTGAGGGTATGAACATGGGATTTCTTCTTCTGCTTTCAACCAAATCTCTAACAATTGTGGAATGC  
TTCACTACACGTCTGGCGGGCAGTTCAAGATACCAATTGTTATTCTGTTGGCCTGGTGGAGTTGGACGTCAACT  
TGGTGCTGAGCACTCGCAACGTCTCGAGTCATACTTTCAGTCGATCCCTGGAATCCAGATGGTTGCTTGTTCAA  
CACCTTATAATGCAAAGGGTTTGATGAAAGCTGCCA

>trans\_c\_2620 U13631|Brassica oleracea var. botrytis non-green plastid inner envelope membrane protein precursor (BOIMP8) mRNA, complete cds

CAAGGAGATTGTGGAAACATTTACTTCTCCAAGTACGACTTAAGTGATATTTCAAAAGTTCATGAATTCTATT  
ATGGGATACCATGCGGACTGGTCCTCTCTGTTGGTGGTTTTGTTTCCTTCATGCTAACGGGAAGTCTTGCTGCA  
ATTAGATTTGGAGTGATACTTGGTGGTGCTTTGTTGGTGTGAGTATTTGAGCTTGCAGTCGTACAAAAGAG

GACAATCACTTCCACTTGCTCTGAAGGGGCAAGCAGTGATTGCAAGTATTCTATTTCTCAGAGAGTTGCGCTTG  
CTGTTTCAGAGACCATCATTTTTTAGTCTTCCGACTACTTTGATCAGTGCAACTATGGTCACACTATATTTCTATA  
GGATCGCTCTGGATGCTCGCATCAAAAAGGGAAAAGATTTCAGGACAGAATGAAAACCAAGTCAGGAGAAACT  
TTACCAGATCTCCATATCTTCACGATCTGAAAACCAAGTTAGCATACTTGAAGAGAATAGTTTCTGCTTGTTCA  
GTTTAAAAAAAACCTTTGAAAGAAATGGTATGATGCTGCTAAGGCTAAGAGTTCCAAGGAAGTAGACTATG  
AAGTTGAAGTTTGATTGGGAAAAAGGGTATGGAAATTTGGATTATGATTAGGTTGAAGGGAAGGGTAAGTAT  
CTTACATTTATCTGTTGCTAGCTGGCTTTTAAGAGCATCAAAGAAATGGATTTAATATTTCTTTCTTTCTTT  
CTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTGAAGAGTTCATTTTCTTTTATTGAATGTCGACAAGACAACA  
ATGTGAAGGAGCCAGCTGAGTTGAAGAGGTGGTTGAAAAAACTGGCACCTCCCAAGTAATTTGAATGTGTT  
TTAAGTATTGTCGACTCCGTTTGTACTAAAAATAA

>trans\_c\_2621 AY062714|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g06210; MBL20.9) mRNA,  
complete cds

ACGTCCGCCGTTCTTTCCCCGCTCTCTCGACTCGGAAATGGACGCATAGCATCACTCTGATACTACTACCATG  
GAGGCGATCAGAAAAGCGATAGCAATATCCTCCAACCGTCGTGTTCTTCCCTCTCTATTTCTCCCCGCTCTCG  
GCTCGTCTCTTTAGAGGCATAGCTACGAAGCTTTTGTGGTGGACTCTCATATTACACTACGGACAAAGGAC  
TGTCAGAAAGCCTTTCCCAATACGGTCAGGTTATTGAAGCTACAGTTGTGATGGACAGAGTCTCTGATAAGTC  
AAAGGGATTTCGGATTTGTCACCTTTGCATCCATAGACGAAGCGCACACGGCACTATCAGAGATGAACGGAAA  
GCCTTTGAACGGAAGGGTTATTTTGTGAAGTATGCAAAGCCAACAACCTCTACTCGTGTTCAATTCCTATAG  
CGAGAGGACCTCCCGAGGAGAAAACTGATAAATGATTGCTAAAAAAAATTGTCTATCATTTATCAAAAAGAAA  
TTAGCTGAAAAGAAGAGAACAAATCATTGAAGCTGCGCGTAGAAAGTGTGATTCAAACGTGTCTTTCAAGAAT  
TTGCTTCATGTCAGAGACATGTTTAAAGCTTCGGGAAAAAGAGGTCAGCTTGCTGGAATTTTTAAAAATATTCT  
TGATTTTCTATTGGTTAAGTAGTGCTCTGTAAAGTATGGTTAACTGATGTCCAGACATCTGTCCATATATTTT  
CTCAGTTTGCTGATTGCCATATTGTGATAATAATATTTCTTTTGCAGCAATTAGTCTCACGGTTTAGAATAAGG  
TATAAGTCTGATTTTTATTTCAATTTTATTCTATTTGGGTGACTTATCTTTAATACTTTCTGAACTTAAAAGATA  
GAGAACATTTTCGGTCTACAAAAA

>trans\_c\_2622 AF527536|Cucumis sativus 26 kDa phloem protein (PP2) mRNA, complete cds

GATCCATATCTCCAATCTCTTAATAATTCAAATTAACCTCTTGAAATGGTTTGCCTAGAGACTGAAGCAAGAGA  
GAACTTGCAAATAAAAGAGAAATTTGGTCATTGCCTGAGTTATATTTGCCAAGTACCGGAAATCCTGTGGTG  
CATTGGCCCTCTACTCTAAGCTTTATCAACAACCTTTGTGAAGGGATCACACTAAACAATGGAACCTAAGATTTA  
TTGGTTTGATAAGAAGGGAAAGGGTAATGGGTACTTCTACTTCCAAAATCCCTCTCAATAGCTTGGATTGAT  
GATCGTCGGTACTGGAAATGGATATTTGTGGAGCTCTCCGGTAAGAACTTGAAGTGGCTGAGCTTATAAGA  
GTAAGTTGGCTAGATGCACGTGGGAAGATAAAGGAATATATGCTATCACCTGGCATCGTATACGAAGTATTGT  
GTCATCTTTTGTAAAGCCTGGTGCCTCTGGATGGCATGAACCTATTAACCTTGGACTTACCTTCCAGATGGG  
AAAACATATGTGAACCAAGAAAGCCTAGAGTGTAGGCCACGAGATGTTTGGTTTACGGTTAAGGTGCGGGGAA  
TTCAAGGTCGACGATAGACATGGTTGTGACAGTACTAAGGAGTACGAGTTTAGCATGTATAACCACGGTGGA  
CATTGGAAGACGGAGATGATCCTTAAAGGTTATGAAATTCGACCAAAGCAATCAAGTTGCGGATGCTAAAAA  
TATGAATCTCTAAATCTCTCACTCCCAATACCCTACTTTACTTGTAGTTTGGTTTAAATAAATGAGAGAGGTATA  
CTACAACTGTAGTTGTTTCTAATATATAAACAACAATATCACTATGTAATACAGTAAAGATATATATGATATA  
TAAATTTACCTTTTACTGAAAAA

>trans\_c\_2623 XM\_002863569|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata anaphase promoting complex  
subunit 11, mRNA



ATCGTTAAAAAATATTTTAAAGAAATAAAACACACCACTTTTAGCTCCTTTCGTAAAAATCAAACCTTGCTCCAG  
TCCTCTCCAATCTTCAACGTTTCGGCCCCCTCCCCTCCAATCAGACGAAGCCGCGACCGCCACTCACCTCTACG  
ATCAGAAGACGCCCCGATACTGCAACTCCGAGCTGACTAGCCGCTCTTGCCTCCGTTTTGGTTACTTGCTGTCTC  
GGTTTAAAGGTGGCATGCTGTTGCATCATGGACTTGGAATGCCAAGATGAAACATGTGGAATTTGTAGGAT  
GGCCTTTGATGGTTGTTGCCCTGATTGCAAGCTCCCTGGAGATGATTGCCCATGATTTGGGGTGCATGCAAC  
CATGCTTTCCATCTTCATTGCATCCTAAAATGGGTGAATTCACAGACTTCTCAGGCTCATTGCCCCATGTGCCGC  
AGAGAATGGCAATTCAAGGGGTGATATCGCAATTGTATTACTTGTGACTCACCGACTATTTGGACATTCGGTC  
CCTAGTTAGGTGTTGCTGTGAGACAGTGGGCCTTAGCTAACGAGGTAGCTTTGAGCTATTTTAAAGGTTACATT  
TCTTCAGTGTATTATATAATATGATCGGGAATTGAAGCCGAGTTTGTGTTTCTCAAGTCTTATCGAGTCCCACCT  
TCTTTGTATGCTTGATAGGACCTTACAAGACGAACGAGCAGGGTTGAAGTTGATCCTATTAGGATTAGATG  
ACATGTGAAATAACCATTAAATTTTTGTTTTCTATCTGTCAATTGGCTGTTAGAGAGTTGGAATTGTGGAAATGG  
TTTGCAATTTGTAGAATTCATTTATAGTCTTTTTAAGTAGAGTTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2624 NM\_100314|Arabidopsis thaliana lesion inducing protein-related (AT1G04340)  
mRNA, complete cds

AGGACTGTTTGGGGTATTGAATTTTACCATTTTAGGCTTCCCTTCAATAATTTCCGCCCCCGTTGGACTCCGCC  
GGAGCTCTGAGTTTCCGATCCCACAAGCTTCAAGCTCCAGGTTACCCCTTCTCTCTTTCTGTACAAATGGGG  
TTCTTCTCCTTTCTCGGACGGGTCTCTTTGCTTCCCTTTTCATTCTCTCCGCTGGCAAATGTTCAATGAGTTTG  
GCACTGATGGTGGACGTGCTGCAAAGGAATTGCTTCAAAGTTGAACACTTTTAGGAGAAATTTCTCCGCTAG  
ATTTGGATTGACCTTCTGTTATTGATGTTTCCATTTAGTTGCTGCTTTTCTGTCTCTTAAAGGCATTGGAGG  
CCTTCTATTTGTATTCGGGAGTCCAATCGGAGCTTATCTTCTGCTTCTCTACTTGGCAATTAGCACCCCAATTCT  
CTATGATTTTTTCAACTATGGTCGTGAGAATTCCTAATTCGGCATACTAATGAATGATTCATACTGCACGTGG  
CACTTGCTGGTGCATTGCTCTTCTTCATCGGAACAAAGAACTCCATTTGGAGGAAGCAACAGAAGAAGAAGGC  
ACATAAAGCCAAGACAACTAGAACTTAAGTTAAATCACTACTTCGACTCGAAATTGTTCTTTTCATTCCCTTC  
CTCTCGTGTGGGGCTCAGTTGGAAAGGTAAATTCATAGCTGGATGTAAATGTGGGTTTTCGAAAAGCTT  
CTTATTTGATAATTCCATTTTGTAAATAATAGATTTACTCATTTAGGGATTGTAGTACTCTTGACTGTCAATTATTG  
TTGGAGTTGGAAGTGGGAATTAGCCATAATATTACATGCAAGTATGAAAGGATTTAGAGAACATGTTTTTCTC  
CATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2625 XM\_002879695|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mate efflux family protein, mRNA

TGCCCCAAAATAGGCCATCTATGTGGAAATCCCGTTATTTTAGTCAAAGAAAAGACCCACCAAGATATTTCT  
ATGGCGAGCTGCAATTCTGTCCGTCGAAAGCTCGTCCTTACAAATTGCGACTAATATATATTGTTTCATCTTCCC  
CTTCGCAACCTCCACTGCCCGCCCTTCCACTGTTCCATTTCTCTGTGACCGGAGATGGCCACCGGTCTCTCTA  
TCTATGCTCCATCCTTCAATACCCACACTAATTTATCATTCAAGTGCCAAATGCTGCGTAGAAACGCCAACTGC  
GGACTCCTGTTTCCTTATCTTCCAAAACCTTCTTCCACAAGAATCTTACTACTTCTTCCCTGAAGAGTCCGCTG  
GAAGAATCGAAGTCTACAGCCTCATCGGATCAGGTCCGTCGAAACAGACTCGACAAGAATTCGCCCAACTCCT  
TCCTGTCTGCGTCTGTAAATCGTTTTAGAGATGCTGCTTTAAGTTTGATGAACTTGCGCTGGACATATTGGCG  
ATTGCATTGCCTGCTGCACTGGCTTTGGCTGCTGATCCAATTGCATCGCTGATTGACACAGCTTTTGTGGTCA  
TATAGGATCTACTGAATTGGCAGCGTTGGGGTATCAGCTTCAGTATTCAATTCGGTGTGCAAGTTATTCAAT  
GTTCTTTACTCAATATCACTACTTCATTTGTTGCTGAAGAGCAGGCATTGATTAATACCGATGAGAAAAACAT  
TGTTCAAACAGATATTGATGACATTGAAGATACACAAGAAAAGAAGCTCCTTTCCTCTGTCTCCACTTCTTTAG  
CACTTGCTACGTGTCTTGGAAATTGCTGAAGCTGTTATGCTGTCTCTTGGTTCAGGGACTCTAATGGATATCATG  
GGTATACCTGTTGATTCATCAATGCGTGCACCTGC

>trans\_c\_2626 NM\_001070196|Oryza sativa Japonica Group Os09g0514600 (Os09g0514600)  
mRNA, complete cds

ATATTAAGACGATAATTTAAATTAAGAAAAAGAAAAAGGGTCGGGGAGAAGCTTTCTATATTGTCCGT  
CATTTGCCAGCATTAGCCCATCAAATTACCCAGCAATGGCAGTCGCAACCTACACAGGCTCCGCCAAATCCAC  
CGTCTCCCGCGATCACCTACTCCAAGACCATTTTCTCAAGATGGTCCGCCTCGGCCACCACCTCCTTGGAACA  
CTCATCGTCGTCATCCAAAAAGGTATCAGATCGCGCCATCAAACCTCTTCGCGTATGATCCGGAGGGCACAAG  
AAAGAGATCGTCGGATTAAGTGGCCAGACTCTTCTGAAGGCGCTTGCCAATCGAGGCTGATCGACCCGGATT  
CCCATCGATTGGAAGAAATCGACGCCTGTTCCGCGGAATGCGAGGTCAGAATCGCCCAGGATTGGATCGACA  
AGTCCCGCCGCGTCTACGACGAGGAGTATTTACTCAAGAAATATTCAGGGCTAGGACTTTGAACAAGAA  
CTCGAGGCTTGGCTGCCAGGTTATTCTACTCCCGACCTGAAGGTATGGTCGTTGTTGTGCCCGAGCCCAAA  
CCTTGGGACATTCTTAATTTTTATTGGAACACTGGATCTTTGTTTTTGGCTATTGTTGGCTGTTGTTTCATTTA  
ATAATTTGTACCTTGAGATGGTGCAGTTGGTGGACGACTTGTGTCTTTGGGAAAGATTATCCTCTAATTGCGT  
CGTTTCGATGCTTCTATACTCTAGTTGTTCTGTCGTGAGCTTGTGTTGATGGGATATTTTGTATTGCAATTTCTG  
TACTTCTTTGTTACAGTGGATGTAAGCATTTGGAGAATGTATAAGAAATTGGCAAAGCACTGTTAGAATATGA  
AAAAATTTGGGGTCTTCGTTTGTGCTAAAAA

>trans\_c\_2627 NM\_115216|Arabidopsis thaliana chloroplast lumen common family protein  
(AT3G53560) mRNA, complete cds

TTATTGTTTCATCTTCTACCTTGTGGGCAACGTGATCAGGGTTTTGGAGCGCTGTATATCCCATTCTCTACTCCC  
GTCCGCTATGGAATCTCTTGAAGACTGCAACACTGCCACCACTTACCGTCGTTTTCAAACCACTTTCTTCACT  
TAGCTTCAGAACCCGACTGTCGATACCGTCGCGCTGCTCTAAATCATCATCCAGAGCATTTCCCTCGTTCCTATC  
GTCCTCCCTTGACTCAGTTTTCCAACTCCGCGACGCGCCAGGTCCTCACTTACCCAAATCTAGACCCTATTTTC  
CTCATCAGTCCTTAAACCACTGCGTACTCTTACCACGCGCGCTGCTTTGTTTTTCATGCGGTTTTGCGGAAA  
ACCTGCTATTGCAGTCCCATCTCCGCTACGGTGGAGTCCGTGGAGGAATCGACGAAAGACGAAGCTTCT  
CGTGGAGAGAAAGAGACGGTACTTGAAGAAGAATTGGTGAACAATTCCAATGATGTTGAAGCTCTTCAATCG  
CTCATTGAGGTAAATGTTAAGGCTCGGAAGTTTCTGAAGCTATTAATAATTCTAGACCGTTTAATAAACTTGA  
GCCCAATGATTTAGAATGGCTTGTGTTGAAGGCCAACGTTTCATAGTCATGTGGGTGACTCTGAATTAGCGAGA  
AAGGAGTTTCAGAAGATTTAGAGAAGGATCCTTTCAAGTTGAGGCTTATCATGGGCTTGTTATGTTAACAG  
AAACATCAGATATTGATTCGTTGAAGGCGATTCTGATTAGGGTTGAAGAAGCACTGGAACATTGCAAAAAATA  
TAAAGGCAAGTCTGAGGAAAGGGATTTAAGCTCTGATAGCTCAGATTAAAGTTATGGAAGGGAAGTTACT  
CTGAAGCATTTGAAGATTACCCAGAACTGAGAGGGAAC

>trans\_c\_2628 XM\_002892028|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein,  
mRNA

AGGGTTGTCGTTTCCGTCCCAAGCTGGCCGGACTTTCAACCAAAAATTTCTTACTGCTTGGTGGACCGTTCCG  
CCTCTTCAAACCGTCTCTCGTAGTCTTCGGCAACTCCGCCGTCTCTGAACCGCCGGTTCACTCCTCTCCTCA  
CGAACCTAGGTTGGACACGTTTTACTACGTTGAACTACTCGGAATCAGCGTCGGAGGTACGCCCCGTCTCCGG  
CATCTCCTCTTACATTTCAAGCTTGATCGGACCGGTAACGGTGGAGTAATAATCGATTGCGGTACTTCTGTTA  
CTCGATTGAACAAACCAGCGTACATTGCTCTGCGCGACGCCTTCCGTGCTGGAGCTTCAAGTTTGAAATCGGC  
GCCAGAGTTTTCTCTCTTCGATACTTGCTACGATCTGTCTGGGAAGACGACGGTGAAGTCCCGACAGTGGTG  
CTACATTTAGAGGTGCTGATGTATCATTACCAGCGTCCAATTATCTAATCCCGGTGACGGCAGCGGCCGATT  
TTGCTTCGCCTTCGCTGGAACCTACAGTGGGCTATCAATTATCGGCAACATCCAGCAGCAAGGATTTGGGGTG  
GTGTACGATTTGGCGAGTTCTCGGGTCGGATTTCTCCTCGTGGTTGCGCCTAATTTCTTGAACAGACAGCAC  
GTAATGCGGGTTGCCGGAGAAATTCCTCCGCCGGCGTCTGTCCTAAAACCTTCTTCTCTTTCCGACATGTA

>trans\_c\_2629 NM\_001071632|Oryza sativa Japonica Group Os10g0522500 (Os10g0522500)  
mRNA, partial cds

>trans\_c\_2630 AY035126|Arabidopsis thaliana At5g51290 mRNA sequence

>trans\_c\_2631 NM\_001053127|Oryza sativa Japonica Group Os02g0290600 (Os02g0290600)  
mRNA, complete cds

ATCCACCAATTAGACTGACTAATGGCAAGGGAAAAACATGTCGTTGTA

CTCGATCATCGCATGGGAAGTTTTGT

CGACATTCATGATTCACCTTGATTGCCCCCGAGGGTGTTGCTCTGTTCC

TGAAAGATGGAAGTGTCATTTTGC

CCATTTATGAGCAAACACTTGCGATTCCAAGGATTGAAAGGCTTCATCTT

GAGCCTCCAGAGATGGTTGAGGT

ACAGGCCTGTGATGGGACATTGCTTTATGGAGCTTTATACAAGCCTAGT

GAGACGATATTTGGACCCCCGCCG

TACAAAACATGATCATTGTGTATGGTGGTCCAAGTGTA

CACTAGTCTCTGATTCATGGATCAATACGGTCGA

CATGAGAGCTCAGTATCTGCGTAGCAGAGGAATCTTAGTGTGGAAGTTAG

ACAACCGAGGAACCGCTCGACG

CGGACTGAAGTTTGAAGCTGCTCTGAAATACAATATCGGCTATATTGAT

GCAGACGATCAATTGGTTGGAGCA

AAATGGCTGATCAGACAGGGTCTAGCAAGAGCTGGAGAGATTGGTTTATATGGATGGAGCTATGGTGGCTTT  
CTGTCAGCAATGAGCTTAGCCCCGGTATCCAGATATCTTCCGATGTGCAGTATCAGGTGCCCCGTCACTTCTTG  
GGATGGCTACGACACTTTCTATACAGAAAAGTACATGGGATTACCAACACGGGATCCAGAAGTTTATGAGCG  
AAGCTCAGTGATTTATCATATAGAGAAGATGACTGGGAGTCTGCTGATTGTTTCATGGGATGATTGATGAGAAC  
GTACACTTCAGGCATACAGCAAGGCTTGTGAATGCACTCATATCGGCTGGAAAGAAGTATGAGCTACTGATAT  
TCCCGGACGAACGACACATGCCTCGACAGCATCGAGATCGGATCTAC

>trans\_c\_2632 NM\_105632|Arabidopsis thaliana SBH1 (SPHINGOID BASE HYDROXYLASE 1);  
catalytic/ sphingosine hydroxylase (SBH1) mRNA, complete cds

ATTTTAATTTTTTCTTAAAAAAAACGACGTAGTTTGATTCTTCTCGATCTCCATCCTCTCTTCCATGATTCTG  
TACCACTCCCACAGATTTTTCTTTGTTTTTCTGTAAACCCTAACTCGAATCCTTTTTTCATTTTCTTCTTTCTG  
TGATTTTGATTCTTGGTGTTAGTTTGTTTCGTTTCTTTCTTCTTGTAGAAAGGCTAGTGTAGGAAGGTGATC  
CCTTGTTCTCCTTCCCATCATAGGAATTGGATTGGGATTCCCTTCTGCTCTTTCTTAACCTGCCGAAAAC  
GTACGTGAGCTGAGATTGGGTTTTGGTTCCTAATGCAATCCGGCTGCTTTGGGGTTTAGTATTTGATCTTT  
TCTAGTTCCTTTCCAAGATGGGTATTGTAATCTCTGATCAAATTTGGGTACTTTGTACCAATTGTGGTTTATT  
GGCTATATTCTGGGCTTATATTCTTCTGGCTCATTTGAGAACTACCGATTAACTCTAAGAAAGATGAGCTG  
GAGAAGAACTTAGTGTCTAAAAGCACTGTGGTTAGAGGCGTTTTCTTCAACAGATTATTCAGGCAATCGTTG  
CAATCCTCTTGTTAAGGTAAGTAACTGAACTGATGGGGAGGTTGCTACAGGTCCAAAATCTTGGCTAACAAATCGC  
AGTTCAGTTTATTGTGGCGATGCTCGTGTGGACACTTGGCAATATTTCAATCATAGATACATGCATCAGAACA  
AGTTTCTATACAAGCACGTCCATTCCCAGCATCACCGTTTGGTTGTACCTTATGCATTTGGAGCTTTATACAATC  
ATCCGTTGGAGGGTCTTCTCCTTGACACAATCGGCGGGGCTTTATCTTTCTTGTCTGGGATGTCGCCTCGA  
GTTGCCATCTTTTTCTTTTCTTTT

>trans\_c\_2633 AB476645|Nicotiana benthamiana GMD mRNA for GDP-mannose 4,6-dehydratase,  
complete cds

TTTTCTTTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCATTCTCCCAGATCCGATTCATTCATCAATGGCTTCCATAGCCG  
ACGGTACCAGATCTACCTCCGATACCAATGGCAAGGCCGCTGAACCGGCGGAGAAGCGACGGACGGCCTTAA  
TTACTGGCATTACTGGTCAGGATGGTTCCTACCTACCGAGTTCCTTCTCGATAAGGGCTATGAAGTTCATGGA  
TTGATCCGGAGATCTTCCAACCTCAATACTCAACGAATCAACCACATCTATATCGATCCTCACAATGCTAATAA  
GGCACGAATGAAGCTTCACTACGCTGACCTTACTGACGCCTCTCTCCGTCGATGGCTTGATATTATTCTTCC  
TGATGAGGTTTATAACCTCGCAGCTCAATCTCATGTTGCTGTTTCCTTTGAAATTCCTGATTATACTGCTGATGT  
TGTTGCCACTGGTGCTCTCCGTTTGCTTGAGGCTGTTTCGATCTCATATTGCTGCTACTGGTCGTAGCCACATTCTG  
ATATTACCAAGCGGGATCGTCTGAAATGTTTGGGTCTACGCCGCTCCTCAGTCGGAGACGACTCCATTTTCATC  
CTCGATCTCCTTATGCTGCAGCGAAATGCGCTGCGCATTGGTATACTGTTAATTACCGTGAGGCCTACGGGATT  
TTCGCTTGTAATGGGATACTATTCAACCATGAATCGCCACGCAGGGGAGAGAATTCGTGACGAGGAAGATC  
ACACGAGCTGTAGGTCGGATCAAGATTGGACTGCAGAGCAAGCTGTTCTTGGGGAATCCGCAGGCGTCGAG  
GGATTGGGGTTTTGCAGGGGATTATGTGGAAGCGATGTGGATGATGCTGCAGCAAGATCAACCTGATGATTA  
CGTGGTTGCGACGGAGGAATCACATACGGTGGAGGAG

>trans\_c\_2634 NM\_111934|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT3G10970) mRNA, complete cds

AAAGAATTCGTTATGCTATGAAACCAGATGAGGCATACGGCTTAATTTTCTTCTTGGGATAATGTTGTGGCAGA  
TACTCAAACCTTTAAAGTTAAATGCATGGAAGCAACTTGCTCAGAAAGGAAAAAGAGTTTCTGAAGATGGT  
GATATACAGAAGCTAATGCTTTATGAAGGTGCAGATCAAGTATTGCAGAAGCTTCTACGATGGGGCATGGCA

GAAAGTGAGCTTGATAGACTGAAATTGAGGTTTTACAGTTGTATTACAGAGGCCTTCTTTCTCTTAAAAACACC  
AGTGGATGGTCTCAAAGAGTGGCTGGTTGCCGTTCTACAGCTCGCATTCCCTGTGCCATTGTTCCAGTCTTGA  
TCGGAAACACATGCTTGAAGCATTGGACCGAATGAGTTTGAAGAAATATTTTCAGGCAATCATAACAGAGGA  
AGACGGTATGGAGTCAATGGCTCATAGATTCTATCTGCTGCTGTGAAGCTGGATCGAAAGCCTTCCAAGTGT  
GTGGTGTTTGAAGATGATCCTCGGGGCATAACCGTGCTCACAAGTGTACAATGATGGCTATAGCATTGATTG  
GTGCCCACCGCGCATATGATCTGGTGCAGGCTGATCTTGAGTTGGTAGCTACAACGAGCTTTCAGTGATCAA  
CTTGCGGAGATTATTTGCTAATAAGGGTTCGACATTTATGGATCTGCAGAAGCAGAGTGTGAGAAAGCTCCA  
TCAAAAAGAAAGCTTACCATTGATACAATATTCTGATTCTTTTTTTTACATTCCCCAGTCTTTCCATGTATTTAA  
GTTGGTCATGATGTCAATTCTTTTGTGACAAAAATCCGAAATCCTAAAACTTCAAATGAAATTAGGAAGA  
GTGAGTAGATGAATATGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2635 AY106422|Zea mays PCO067418 mRNA sequence

AGAATAACAAAACAGGGTTGTTCCGCTTTACCTCAAATAGCAACAAAGAAGAAGAAGAAGACGATTAGA  
AGAGAAAGATGGAAGCGAAGGTCAGCAAATCTTAGGCTCCGTTTCCAATTTCTTCTCCGGCGGGCGATCACAT  
ACCATGGTGCGATCGCGACGTCGTTGCCGTTGCGAAAGAGAGGCTGCTGAGGCCGAAAAGAGCTCATCTG  
GTGAGCTTTTGAAGGAAAGCATTATGCGTTTATCTTGGGCACTTGTTCAATTCAAGGCAACCTGAAGATGTACA  
CCGTGGAATTGCAATGCTCGAAGCTGCAATATCTGGTGACGATAGCCCACTGAAGATGAGAGAGAAGCTTTA  
CCTTCTTGCTGTTGGGTATTTGAGAAGCGGTGATTACTTAGGAGTAGGGAGCTGTAGAAGAATGCTTAACA  
ATTGCTCCCGACTGGAGACAGGCAATGACACTGAAGAAATCAATCGAAGATCGGATCACTAAAGATGGTGTG  
ATCGGCATCGGCATTGCGGCAACTGCTGTAGGACTGCTTGCGGGTGGAATTGCTGCTGCTGTTTCCAGGAAG  
AAGTGAGTCCCAATTACTTGGTTTGTATATAAGAAATCACTCTGATCAAGCCCAGTTTTAGAGTTGCTATACTT  
GAGAACTTTAAGATGTAGAATGATGCTATTTAGCTATTACTAATGTTTGTCTGTTATATTGATCTATTTCATAT  
TTGTTTAAATATTGTGTTTTACGTACGTTATCTTGCAATTTGAGTCTATTTGAGATTATACATATTCTTTCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAGGGCCCCCCCCGCCCTCAAAAACCTTATCAATCCCGCCAACCCCA

>trans\_c\_2636 AY105085|Zea mays PCO085026 mRNA sequence

ACATGAGCACTCTCGAAGGCGATCTTTCTTTCTTGGCTTCAGTCAGTCTCCAGCAGATTTTATCAATAACTTGAT  
ATCTTCTCAAACCTAAGGATTTAAAGATCGTAGCTGGAGATGCTAGCCATCATGCAGAGAAAGAACGTCCTCT  
AATTTCTACAGTCAATCATGGGTGGAGGATGCTGTCAATCGGTATCTAAACCGTAAACCTGCAACAAGTGAAG  
TTCCTAGAAGCGCATAAGGATCCCATGCAACATCTATATTGAAATCGGTGACATTTGTCTGATATTCATCACAT  
TTATCACTCTTTCCTAATAGAGGACTAAGTATCTGGAAAGTTATAGGAATTCTGTATTTAACCCCTTGCCTTGTT  
TGACTGGGTAATTATCTAACCAGGGGATAGTCTTCTTAATTGGACTAACCTAAGATATTTGATTCTGTACCATTT  
TTAAGCTAGATTTTAGAATCATAGTTGATTGCTTGCTGTTGTCGAAAGTTCCTTTTCATACAAATTACATTCC  
ATCTACCATTTTTGTTTCTTAGTAGCCTCTCGTAGAGCTATCAAATCTGATTTGCGATGTAGTTTTAGAGCCTGT  
AGGTGGTGAAGCGTTTTTCACTCTGGAGTTCGCTAATGGCTAATAACCAAGATAGACGGCATAGACGACTCG  
ACTCGTACTTGAAACCAACACAACCCTTACCCGGGGCTATAAAAGAGAAGGTACACACTCCTCTTGGCTTGTTG  
TCATAAACTGACCCAACTTTGTGAAACAGCATACTGCCATTAACTCATTGCTTTGGTGCTTTGCTACGCAC  
ATAAAACATGCTCCCAATTGTCCTTGATACAAATCTTATCGTGTATATAACATTTATGAATATTCCGGATTGGT  
TTCAATAGAAATAACTTGAGCTGTTTTGAGGC

>trans\_c\_2637 XM\_002873638|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata universal stress protein family  
protein, mRNA

TTGGTTGCACGACTTCAGACACAAACGTTTTTCTCTCCAAGTTTCTAACCTATCTAATACAACACAAAATTTA  
ATGCCACCCCGTGGAATTACGGATTATTGGGAAGACAAAGAAAGAAATTGTGCGGTTGCTCAAACCCCATTA  
AAGCATCGACATAGAGCTTCTTTTCGTATAAGAAACCCAATCCACACTACTTACACAACAATGGAGGAAGAAC  
CTACTCGAATAATGCTTGCAGTGAATCAATCTACCATCAAAGGCTATCCCATCCTTCCATTAGCAGCAAAAGA  
GCCTTTGAGTGGACTCTCCAGAAGATCGTCCGCTCCAACACCTCTGGTTCAAATTCCTCTCCTCCATGTCCTT  
GTCCCTGACGAAGACGGTTTTGATGAGGTAGATAGTATCTTGCATCACCTGATGATTTTAAAGAGTTGAAGA  
AAAGGGACAACGCAAGAGGGGCTTCATCTACTGGAGTACTTTGTCAATAGATGCCACGAAATTGGGGTTGCTT  
GTGAAGCTTGGCTTAAGAAAGGCGATCCAAGTGAAGTAATTTGCCTAGAGGTGAAACGTGTTCTACCCGATT  
TCTAGTTGTTGGAAGCAGGGGACTTGGCCATTCAAAAAGTTTTTGTGGGCACTGTTAGTGAATTCTGCGCA  
AAACATGCTGAGTGCCCCGTCATCACAATTAACGCAGGGAGGACGAGACACCCGATGATCCTGTCGACGAC  
TGACCTTCAGCCGTTAAACTTATGACATATTTGATTTCTGTTTCATCCTGTTGTTTATAAATAAGAACTTTTG  
GTGAGTGTCTTGTGTATCAAGTGTGTAAGTTGCCAATTCGTCATTGATTGTACTTGTCTGTGGTTGTTTA  
AATATACAGTCAACCATTGTTTGTCTCGATTGATTGATGAC

>trans\_c\_2638 NM\_120219|Arabidopsis thaliana RSR4 (REDUCED SUGAR RESPONSE 4); protein  
heterodimerization/ protein homodimerization (RSR4) mRNA, complete cds

TCACTTCCTTCTCCTTCTTTACCTTTCCACTGCGGCTGATTCTTCTTCGCCTTTATTCTCTCGTACGCCGCATA  
TTCTTCACTTCTTTTTCCGGCGACAATGGCAGGATCCGGTGTTGTAGCGGTGTACGGTAACGGAGCTCTCAG  
GAGACGAAACAATCCCCCTTCTGTGAAAGTTGGATTGGCTCAAATGCTCCGCGGCGGAGTAATTATGGACG  
TCGTCAACGCAGAGCAGGCTCGTGTGCGCCGAAGAGGCTGGAGCTTGCGCCGTCATGGCTCTTGAAAGAGTTC  
CTGCAGACATCCGAGCCCAAGGCGGTGTCGCCAGAATGAGTGACCCACAACCTCATCAAGGAAATCAAACAAG  
CTGTTACGATTCCGGTCATGGCGAAGGCTCGAATCGGTCATTTGTTGAAGCTCAGATTCTCGAGGCCATTGG  
TATTGATTATGTGGATGAGAGCGAAGTTCTTACTCTCGCTGATGAAGAAAACCACATCAACAAGCACAACCTC  
CGCATTCTTTTGTCTGTGGCTGCCGTAACCTCGGTGAGGCGCTGCGGCGTATTCTGTGAAGGGGCGGCAATG  
ATCAGAACCAAGGGTGAGGCCGGTACCGGCAATATCATTGAGGCTGTGCGACACGTGCGGTCTGTGATGGG  
GGATATCAGGTTGTTGAGGAACATGGACGACGATGAGGTCTTTACCTTCGCCAAAAGATCGCTGCGCCATAT  
GATTTGGTGCTGCAGACGAAGCAGCTCGGCAGGCTTCCGGTGGTTCAATTTGCCGCTGGTGGTGTAGCCACG  
CCGGCAGATGCAGCGCTGATGATGCAGCTCGGTTGTGACGGTGTATTGTCGGCTCTGGTGTGTTCAAGAGC  
GGCGACCCAGCGAGGCGGGCCAGAGCGATTGTTCAAGGCTGTTACTCATT

>trans\_c\_2639 NM\_121303|Arabidopsis thaliana ATGSL12 (glucan synthase-like 12); 1,3-beta-  
glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATGSL12) mRNA, complete cds

GAGTCTTGGTGGGAAAAGGAACACGAGCATCTAAATTCTCCGAAAGCGTGGGATCTTCGTTGAGATATTA  
CTGTCAATACGGTTTTTCATCTTTCAGTATGGACTAGTATATCACCTGAAAATAATAGAGTCCAGAGTTTTCTG  
GTTTATGGCCTTCTTGGGTTGTGATCATTTCAATATTGCTCCTGATGAAGGCGGTATCCGTTGGACGACGTAA  
ATTCAGTGCAAGCTTTCAGTTGTTATTTAGGCTGGCTGAGGGTTTTATTTTCATCATCTGTGTGGCTGGCTTCAT  
TACTTTAGTTGCAATACCTCATATGACAATCAGGGACATCACACTTTCATTCTTGCTTCTTACCGACGGGATG  
GGGACTGCTCTTGATTGCTCAAGCTTGTAAGCCCTTAATTCATCAAACCTCATTATGGGGATCTGTTCTGTCCT  
TGGCTCGAAGTTACGAAATCGTGATGGGATTGCTTCTGTTTACACCTATAGCATTCTGGCTTGGTTTCCATTT  
GTTTCAGAGTTCCAAACACGAATGCTGTTCAACCAAGCATTGAGCAGAGGTTTGAAATTTCTCGTATTCTTGG  
GGGGCCTAGAAAAAGGAAAAGAGTTCAACCACAGACAAAGAGTAAATATTCACAAACAATACAAAGATAAA  
GATGGCCACAATTCTGAACTGTAGATATTGTTATTGTAAATACCGTTATTTCTCTGGCTTCTATATTTATGGC  
TTGCTTCTCTCATTGAGATGATTATTATACTGAAGATGGTGGGTCATTTGTTCAAATTACCATTTGCCATCTGA

TCGTATGTAGAGTCGTCATTTAGTGTGAATACACTATACATATATTTTATTGCATTCGGTTGTGAATTATAAGG  
ATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2640 AL161596|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 92

TAAATAAAAAATAAAAAATCACCCGGCGCTACAACACACTCCTCGTCTCTTCCTGGCCTGTTTCCATCGGCTG  
AAAACCATGTATGCTGCGAACCGCTGTAGATTTGCGGAACGTTTCGGACAAAATTGAACCAAAAAATCAATACA  
ACAATGTTAGGGTTTCTCACAATCCCACACCAATTGAAGATTTCCCATCTCTCGCATCTCTCCCTTCAATCTCGT  
CACCTTCTTCCCTCTTCCCTTCACTCTACAAATTCCTCTCCATCACACATTTTCAACTCCAAATTTCTAATTTCC  
AGTAACCGCAGAAGATTCACAGCGTCTGCGAGCAACAAGAACCCGAATTCGGCGGAAGTATAAAGGAAAG  
AGAAGGAGAAAGAAATGGGGCAAAGAGCTCCTCTAATGGCGGCGATGACTTGAAGAAAGAACGAGGGCCG  
GTTTTCAATATCAAATGGGCTGAACCTTTGATCGACCCAGATCCTGATAACATCTTGGCCGTTGCGTTGACTGG  
TTTGCTTGCTTGGGCAAGTGTGCAGGTTTTGTGGCAGCTATTCTTCATCTCTTTGGCTATTTTAGTGGCTGCTCT  
TAAGTATTCTTTTATTGCCGCGCTTCTATTTTCATTCTAATTACTTTACTTTAGAAGTGCAACAACATTCTGTAT  
AGTCCCTTCACTTTTATGCTTGATTAATTGGATTTCCATCGAAATTCATGGCTTCGGTGTATAAATGTGTTTGT  
CTAGCCTTAAAAGAAGGCTAAACTACAAATACAGTAGGTTTATGTTATGTCCAGAATTTGGTACCCCTTAGTCA  
AGAGCATATGCATTAACCTCGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2641 NM\_001055023|Oryza sativa Japonica Group Os02g0814000 (Os02g0814000)  
mRNA, complete cds

ACGTTTAGTATTTTCTAGCAAACGCATCGCCTCCGTTTCTCTACCATTCTCAGATCATCCGTCTCTTATTGTCGGT  
TGCTTCCTTGAGCAATTGAAGAAAATAAGAGTAACTGTTGATCAATTTTTTGAGCTATGGCTGAGGAGGGTCA  
CAAAGTCACTTTGAATGTTTATGACTCGAGCCAAGGTCTAGCCCGACAACCTTCCACTACTTTCCTTGGGAGAC  
CTATCGAGGCCATATGGCACACAGGAATTGTTGTGTATGGCAATGAATACTACTTTGGTGGAGGTATTCAACA  
TGATCCTGCTGGAAAACTCCATATGGGAAACCAATGCGGTGATAGATTTAGGAACAACCTCACGTGCCCAAG  
GACGTTTTTGAGATGTACTTGAGGAGATCAGCCCGCGTTACACAGCCGAAACCTATAGTTTACTCTCACATA  
ATTGCAACAACCTCAGTAATGAAGTTGCACAATTTTTGGTTGGTGCAACCATTCTGATTACATTCTTGACCTCC  
CTAACATAGTTATGAGCAGTCCAATGGGTGCCTTCATATTGCCCATGATTCAAAATTTGGAAGCTACATTGAAG  
GCAGGTGCAGTTCCGATGGCCCCCAGTTCAATCCTGCTTCACTAACGTCCCTAGATCATCATCATTGGTCTC  
GAATAGCTCTAGGACTCGGTCAAAGCCAGAGGTAGATCATGCCAAGCCTTTTGAGAAGACAACCCCTGCAGA  
ACTGCAGACATCTAAGCAAAGGGGATTGCCGACCCACTAGGGGATGCTCGTAGCAAGGTGCAGGAAGAGA  
TCGGCCGGGAATTTGCAGCAATCATGGCAACGGGGACACTGCGTGCGAGTGAAGCGGCAGCATTGGCAAC  
AAAAAAGTGATGCAGAAGTATGGAAATGCTACTCTATCTCAGGG

>trans\_c\_2642 AY105116|Zea mays PCO136039 mRNA sequence

TGCGAGAGTCGGGTCCGACCAGGGTATTTGCACAAGACAGCAACCTCCGTGGCTCTCTGTTGTACCACCAA  
AATCCTCAGCAGTTCCAAAAAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAATTCAAACA  
AAAATGTCGTCTGTTGGAACTTTCAACTACTACTACCTCCATTTCTTCTTCTCCTCTCTTCTTTACCAATAA  
AACCTTTCTCTTCGTCTCTCCCTTCCCCACTTCGCTCGGCAGCGCCACGCCACCTTAATCACAGTTTG  
CAACATCTCCATCCAATTTCAAATCTGGACGGAATTTAGATCCTTCCGCTGCCTCTCGGGATTGTCTCCTGAG  
CTAAAAACAACAATCGACAAAGTCATTACATCGAGAAAGTTGTTCTGTTTATGAAGGGATCTAAAGACTTCC  
CACAATGTGGATTTTCCCACTGTAGTGCAAATATTGAAGTCTTTAAATGTGCACTTCGAGACTATAAACATC  
CTAGAGAACGAATATTGAGACAAGGACTGAAGGAGTATTCTAACTGGCCAACCTTTCTCAGCTGTATATAG  
ATGGAGAGTTCTTTGGTGGTTGTGACATAACAGTTGAAGCATACAAAAGCGGAGAATTGCAAGAAGTGTTGG

AGAAGGCAATGTGTTCTTGAAGCCCAGGTTTGGCAATCCTTCTTCACTTGATTTTTAATGAAGGAAAGATGTAT  
ATCAACATGACATTTATGTTACTCAAGGCCTCATTACAAAGGGTGAAAACCAAGTTGCTTGTGTTTGGATGTC  
TATTTCTCACCTGGTTAAAGAAAAATAGTCTTGTGAGATTAGGTGAAATGTGTATAAACTGATTTGAACAATA  
AAGAAAATAGTGGGCTGGGGGCAATGAAATTGGTCGT

>trans\_c\_2643 AP009368|Olimarabidopsis pumila chloroplast DNA, complete sequence

GTAGCACGAGCACGAAAAATTGAGCGTTTCTTATCACAACCTTTTTTCGTAGCAGAAGTATTTACCGGTTCCCC  
GGGTAAATACGTTGGCCTAGCAGAAACAATTAGAGGGTTTAAATTAATCCTTCCGGAGAATTAGATGGTCTT  
CCCGAACAAGCCTTTTATTTGGTAGGTAACATCGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAACCTAGAAATGGAGA  
GCAAATTGAAGAAATGACCTTAAATCTTAGTGTCTGACTCCGAATCGAATTATTTGGGATTGAGAAGTGAAA  
GAAATCATTTTAGTTACGAATAGTGGCCAAATTGGTGTATTACCAGATCACGCACCTATTGCCACAGCTGTAGA  
TATAGTGCCTTTGAAAATACGCCTTACTCCTAATGATGGATGGTTAACGATGGCTCTGATGGGTGGTTTTGCTA  
GAATAGGCAATAATGAGGTCATTTTTAGTAAATGATGCGGAGAAGGCTAGTGACATTGATCCACAAGAAG  
CTCAGCAAACTCTCGAAATAGCGGAAGCCAATTGAGGAAAGCTCAGGGCAAGAGACAAACAATCGAGGCA  
AATTTAGCTCTCAGACGAGCTAGGACACGAGTAGAGGCTATCAATGGCGTACCTAGTTAATGCGTCTAAATAA  
TAAAGTGAAATGAAATTTTCATGGAAAAAAGAAATTACAATTAATAAATGAAATAATATAGAGTCGGATGGA  
AAAGATAGAAAATCACTAGAACAAAGTTGAGTAGAAAACTTATTAGATACCATTGCTTCTGTGGTATCTAAT  
AAGTTCTACCTACTATTGGATTTGAACCAATGACTCCCGCCGTATGAAAGCGATACTCTAACCACTGAGTTAAG  
TAGGTCATTTATCATCACAAGAAAAAAAATGAGCCCTATCACATC

>trans\_c\_2644 NM\_105232|Arabidopsis thaliana FRA3 (FRAGILE FIBER3); inositol or  
phosphatidylinositol phosphatase (FRA3) mRNA, complete cds

TACAAATGAATGTCAGAAAAGTGACACACTATTTAAAATACTTTGCTAATGTCAGACTACTATTCGAGTGAATG  
GCAAAGCGACTAGTAATTATAATCTTAGAGGTTCTTTTGGCTTTACACGATGGCTTGAGGTCTCGCCTGCAACT  
GGAATTATCAAACCTAACCAAAATTGTTGAGGTCTCAATTTGTCTTGAAGAATCCCACATGTCAGAAGGATTGG  
TGATGGTCATCCACAAAACCTCATGGTGTGAAGTCACCAGAGATAAAGAGGTTATTTTGCTTGTTAAGGTGTAC  
GGAACCTTTTCTAGTAAGTCAAAGAATCATCGTATTCGTGTGCGCCATTGTGTTTCTCTAAGACAGAAGGAAC  
TGGTACCAAAACGAACAACTCTACCCAAATTCATGGAAGCGTTCTTCAACGATCCGATATTCAGTGTCTCAGCA  
TGTCCAGCGATGTGGTTGACCATCTAAGAAATTTGCATACCCCTTGACTGCAGCCAAGATTGTGTGGGAAATC  
ATGCTTTTGGTCTTTAACAGATCCCAATTCTCCAGCTTCTTAATGTACATACCTGAGGCCATTTTGATCAAA  
ACTCGTACTGCTTTGATTTGTGTCAATAGTGTTCAATCAATAACGATATCCATTTTTTGAGATTTTCAACCTGATT  
TCAAGACAGGTCCATCTCTAGGTGGTTGTTGATAAGTGGATTACAAAATTTATAGATGAAAGTTGTCATACAG  
AAACAGCAGCAGAGTAGAGGAGGCAGTTTTATTTGTTCTTAAATGTTATTATCCCAACTACAGTGAAACAATT  
ATGTTTGTGGATTTGGTTTTGACGAGGCTGAGTTTTGTTTCTTGAACAACTTTGTACGTGCTGAAAAATATGT  
TTGCAACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2645 GU270835|Vitis vinifera cultivar Cabernet Sauvignon pectate lyase-like protein 1  
mRNA, complete cds

GACTCCAACCTCACGTGGGTCATCGAGGATTATCAGATGGAGATGGGATCTCAATATTTAGCTCGAGAAAGATA  
TGGATTGACCACTGTTTCAATTGTCGTATTGTACTGATGGATTAATAGATGCAATAATGGGTTTCGACAGGAATAA  
CAATATCAAACAGCTACTTCTCGACCATGATGAGGTAATGTTGTTAGGGCACGATGATCGATATGTGCAAGA  
CTCAGGGATGCAAGTCACCATTCCTTTCAACCACTTTGGTGAGGCATTGGTCCAACGCATGCCTCGATGTAG  
ACATGGCTACATCCATGTCGTCAACAATGACTTCACTGCTTGGCAATGTATGCCATTGGAGGTAGCGCCCAA  
CCCACTATTAACAGTCAGGGTAATCGTTACACTGCTCCTGTGGACCCTAACGCCAAAGAGGTGACGAGACGTT



>trans\_c\_2646 AF411075|Glycine max homo-phytochelatin synthase (PCS1) mRNA, complete cds

>trans\_c\_2647 DQ191636|Solanum tuberosum 40S ribosomal protein S7-like protein mRNA, complete cds

>trans\_c\_2648 NM\_116362|Arabidopsis thaliana ATSTE24; endopeptidase/ metalloendopeptidase (ATSTE24) mRNA, complete cds

TACACTTTTGCAATTTGGAGGATATACTTTGGTGAGGAATTCCAGTGATTTGTTTCGAAGTTTTGGGTTTGATA  
CTCAGCCAGTGCTTATTGGGCTCATCATATTTGAGCACACTGTAATACCTCTCCAGCATCTAGTAAGCTTTGCTC  
TCAACCTTGCGAGCCGATCTTTTGAGTTTCAGGCCGATGCCTTTGCACAGAAACTTGGTTATTCTGCTCCTCTTC

GTGCTGGTCTTGTCAAACTACAGGAGGAGAATTTGTCGGCAATGAATACAGATCCCTGGTATTCCGCATATCA  
TTATTCCCATCCTCCACTTGTTGAAAGATTGGCTGCACTCGACCTAGCAGATAAGAAGGAAGAATGATACCAA  
TCTTCGGTCCTAATATCTCGTACCTAGCAGGTGGATTGACGTTCTATTACGCTACCTGATTGACTTTTTTGGTG  
GGAGGGGTGNGGGAGAAAGAAATACTAGAGAAGCAAGCCCCAAAGGAAAAAAGTCATCCATGTTTGTCT  
AGTTTTACACAAAGGAAAAAAGAACAAGAAAAAAGTTGTTTCTCTCTTTCTTTGCTTGTTATTGACCTGCTGT  
GAAGGAAACGAGAGGTGAACTAATTACTAAGGTCATGTTATCATTCTGTATGAACTCGATCAGACCCTTCTTT  
GCAAAACAATCATGAGCTAGAATTATGTTTTGTTTTCTTTTTCTTTTAAGAAAAGTGAATTCTGCTGACAAT  
AGTGAGAGAGATTCAATGCAATTTTGTTAATTTTCGGGTTGCATTCTCTTTCTTAATCCTACATTGGAATAGG  
AAGTGGAAGTGCAGTTTGAGTCATCCAAGCTCGTTTAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2649 AY105523|Zea mays PCO147002 mRNA sequence

AGGCAATGCTGGGAGCATAGAAGGAAGTGCTGATGAAAGTAATAATCCAGGAACATCTGTTGTTGATTCTGTG  
TGAGGCAGATTCTGAAGTTGAGTTGATAATAGGTGTATAAATGGGGATAGCATGCATATGGAGACAGAGCC  
AAATGCTGTGCTTGAGATGGCATTAAATCCTGGAGGTGGGGTTAAGTCTACAACTATCCAGAACCCAGTGATA  
AGGCTGAGTATGGCCTCAACAGCGTAAGAGAAAGCTAAGCAAGAGCATTATAATATGATGATCTATACACCA  
CCGTGAATACAATCCGTATTGGCCAAAGAAGAAAAAGAAATAAAAGAAAGGAACCTGTCCATTGGGGGCAA  
GTGTTCTTTGAATTGCTGGCCTTGGCGTGTATTATTTTTCTTTTTGTCTAAGTGCCACATTCTTTATACCTA  
CAAATGCACCATCTAAAAAAATTATTATGCACAAAGTAAAAAGTTCTTTGTGTACTGATAATACTTGCTTGCA  
CTTACAATGACTTCAACAAAAAACCGTTCTTCAAGAGCTTTTGAGCCTCAAAAAGGCTCCCTTGCTTGTTGG  
GATTTTCTCTAATATGCATTGCTTTGGCTGCTGAGTTGAGTGCTACCTCGTCGTCGCTTTCATCATATCCCCACC  
TCTATAGTCATTGTAATATATTCATCGATCCTCTGGTTAATTATATTCTGAGGGGAGGGGAAGTGTTTTGTATT  
CTGCCTTTTCTTTGTTTTTTAATCTCTTGAAAAAGTATCGGGATTGAAGTGGGGACTAAGTTCTTAGATTAT  
GGACAAAGTACTACTTGCTTGGTGTCTTCAACCATTGAATGTAATCTACCAACTATTTGTGTTAATACAGAC  
AACTATTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2650 AF150627|Cucurbita moschata phloem protein 2 (pp2) mRNA, complete cds

GAATTCACATCTCCACTTCTCACTAACAGAAAAAACAGAACTTGACAAAATGTGTGATAAAGGGTCAGTAG  
CAAAAGAAAAATTAGGAGCAGAAAGTGAAGTATGGTCATTGCTTAGAAGTTATATGTAAAGATGCAGACGTGC  
AACTTCATTGGCCTTCTTTGATGAACCTTATGCTCAAGTCTCTCATGGAATCATATTGCACGATGGATGTAAG  
AAGTATAAGCTTGATAAGAATACAACTGTAAGTGGTGGCTTGTGGGTCCAAATGCTTATCAATAGCATGGA  
TTGACGATACTCGGTACTGGAGATGGATAACCATCAATGAATCTGGGGAAACATGGTTTGTGGCGGAGCTTCT  
ACAAGTATCTTGGTTTGATATGCGTGCGAAAATAAGTGCAACTGCGCTGTCATCAAGAGTTGTGTATGATGCA  
ATATTTATAATAATGTTAGCCGATAGAGCTTCAGGATGGGAAGTTCCTGTGAGCATAGAACTGAAGAGGCCA  
AATGGGTGCAAGATAGAAAGCAAAGTAAGTCTGCAAGGTGTGAAACGAGGAGAATGGGTGGAGATTGTGGT  
TGGTGATTTTCATCGTCGATAATTGTAGCTGTGAGAGTGGTGGTGAGATAGAGGTTAGCATGTATCAACATGGT  
GGGCATTGGAAGAGGGGACTTCATTGCAAAGGTGTTGAGTTTCGACCTCGTGGATCCTGTGTTGCATGAAAA  
TCATGATCATCTATCAATATATGAAGATATATATAATCATATATTATGTCATAAATAATATCCCTTTTTGCTTAT  
AAGCAACAAAGGCTGAGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2651 NM\_001126005|Arabidopsis thaliana ATBAG2 (ARABIDOPSIS THALIANA BCL-2-  
ASSOCIATED ATHANOGENE 2) (ATBAG2) mRNA, complete cds

ATAGAAATTAAATTAAAGGTTGAGCGAAAAATGGTTTCAATTGAAAATCAAAGTCAGAGAGTTTCAGAATTGG  
ATATTAGACCTGGAGGAATGTTGGTTCAAAAGAGGGATTTTAATTCAAATCCTTCCTTCCCCACCATTAAAGTT  
AAGGTCAAATTTGGCTCTTCTTATCATCATATTCAAATCAACTCCCATGCAAGCTTTGGTGAATTGAAAAAGTT  
GTTGGCAGAGCCAACAGGGTTGCACCCAGAAGAGCAAAAGCTAATATACAAAAACAAAGAGAGGAATTCAA  
AAGCTTATCTAGATGTGGCAAGAGTTCAAATGGCTCAAAAATTGTGTTGGTTGAAGACATTTTAAGCAAGGA  
AAGAAGATGCCTTGAAATTCTTAAAAATCAAAGTTTCAAATATCCTCCAACCTCCTAAAAGAAATAAACTTGG  
AAGTCAATAAACTCTTTCAAGAGGTTGGATCCGTTCAATTTGAAAGCTTGTAAGATGGGAGAGTTTATGAAAA  
AGAAGTGGATGATTTGATTGAATTACTTATGAGAAAATTGATACAATTAGATGAAATTGAAGTCGTGGGAGAT  
TTGAGACTACAAAGAAGACAACAGGTGAGAGAAGTTCAAAGCAAATTGAAAGTCTTGACATGATGAAGCTA  
CAATATTGTACCACTCTTAATAGCAAAAATGAAATTGGAAACTCAAAAATGGTGGTTTTATTCAACTATAAA  
GGCAAAGCAAATTTGAAGCCAAAGCAGCAATGTTTGAGAGTACTGAAGGAAGCTCCAAGGAATTCTGAACC  
TGTGGTGGTGACAATAATGGGAACTTTTGATTAACAATAATATCATCATATACTTATAAACTGCAAAAAAA  
TATATGTTAATAACATTCCACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2652 NM\_104706|Arabidopsis thaliana potassium transporter family protein  
(AT1G60160) mRNA, complete cds

TGAGGGTATCCAAATTCTTTCGAAGATATGGAGGATGGAGATCGAATTGAAGAAGGTAGCTCTAGATTGCTG  
CAGGGTAGTAGCCTTACTGGCAGCAGTAATGATTACAGGTGGGTTGATGGAAGTGAAGTGGACTCCGAGTTG  
CCTCCATGGTCGATTTTTGAAGATAGGGAAAGCGTGGAAGCATCTGGATCTATCAGAAGGAGGTTGATTAAG  
AAGCCCAAGAGAGTTGATTCTTTGATGTTGAAGCAATGGAGATTGCCGGTGCCAATCCTCACCATTTAAAGG  
ATGTTTCCATTTGGCAAATATTGCTATAGCCTTTCAACACTTGGTGTGTATATGGTGACATGGGTACAAGT  
CCATTATACGTTTTTGCTGATGGATTCACCAAGGTGCATATTGAGGAAGATGTTGATGTCTTGGGGGCTCTTC  
CTTAGCGATTTACACAATTGCTCTTATTCCTTTGGCAAATATGTTTTGTTGTGCTCAGAGCCAATGACAATGG  
TGAAGGTGGGACATTTGCATTGTATTCGCTTATCTGTAGATATGCCAAAGTTAACTTGCTGCCAAACCGTCAGC  
CAGCTGATGAACATATCTCAAGTTTTAAGCTTAACTACCCACTCCAGAGTTGGAAAGGGCCTTGAATATTA  
GAGATTCTGGAGAAAAGATCATCCTTGAAACTCTTATACTGCTGTTGGTCTGATGGGGACTTCAATGGTTAT  
TGGGGATGGTATTTTGACTCCGGCAATATCAGGTCTTGATGATTGACGTCTCTTTTTTCTCCTCACGTAATAAAC  
CAAAAATCTCTTTATCGAACCTACACAATAAACCATGAAAAGAGAATTTTTTAAGCATCCTGTCTAATTAATGT  
GCCAACTGGGAAAAAGTCTCGTGCATGAATAGAAGGT

>trans\_c\_2653 U66276|Cucurbita maxima phloem filament protein (cPC7) mRNA, partial cds

GGATCACAACAAAACCTCTCTTAGCAAACATAAATATCAAAGAAGTGAAAGGAAGATGAGTTGCGAGACAA  
AGAAAGAGCAGTGATCCAAATCCATGATACAACAACACCTTGTGTGATTAATTTTGGAAAACATGCTGTGGA  
TGACCACAACAAAGAAAAAGGAGATAACCTTGATTCAAAAAGGTTATAATCGGATGGTATTTGGAGATAGA  
TTATAATAAAACAAAGCTTCGTCTTATTATTGAAGTAGTAAACAGTAAGGGAGAAGTAATAACATTCGAAGTA  
GTTATTGTGGTAGATGATAAAGATGGAAAAACAGTGAAGACAGTCATTTCAATTTGTTCTGGGCATATAGATG  
AGAAGAATCCATGGACATTTTGGATTAAAATTCATAATGTTACCGAGCCTCATGTGCAAGAAATTGCAAAGTT  
TGCAGTGGAAGAGCATAACAAGATTACTCATGACAATCTTATATACATTTGCATCATTGAAGGCTGGTATCAT  
GTGTCGACTATTCCACCTGTTACACTATGGAACTTCATCTTAAGGCCAAGGATTGCTTGGGACGTGTGCGGG  
AGTACGAAGCTTTGGTCAAAGAAGAGAAAAGTCTGCCTAAGCACGTTCTGAAACTTGAACATTTCATAGTTAT  
ACCAAAGATATGTTGAAAAGTGGTACATATGTGGGTTCTTTTATGTTATGTGACGCCCTTGACTATAACTATAC  
ATAAATAGTCAAGTGCCTTAATAAAAATAAAGCTTTTTTAAATATATATTACCACTACAAGAAAAGAAGGTATTA  
TAGCGGCTTATAATTTAGTCTATAGTAATGGATTATAAACGTTGCCACATCTATAGCAGCGGTCTAGTAACTGC  
TGACACAAGCAGTGTTGAGAGCTCATTTGCAATGATTTATTTAT

>trans\_c\_2654 AY107920|Zea mays PCO093798 mRNA sequence

TTTGGTGGAGATATCTAAGGGTGGTGGAGAAATAGAACTGGGAGAAGGAAAGTAGGGATTTGAAGATTGTG  
AGAGGCAGCGCAGCGATAGCCGAGCGGAGTTGGCGAAGGCAGAGCGAAGAAAACTCGGAAAAATGGCGT  
TCACAGTTCGAGGTTTGAAGGTTCCGCCGAACCTCCGCGAGTCTTGAAGAAGCCCCGAATCGGGTCTTCGATT  
CTTCAGATCAGCATGTAGATCATTGCCAGCAATCATGGACATTTACAACCTGGATGATGTCACTACTGTTTCTC  
AACTCCGTTCTACCATCGCCTCTGAGATCCGCAAGAATTCTCACGTCACTGACCCTAAGGTGATTGATATGCTT  
CTTTTCAAGGGAATGGAAGAGCTTGGTAACATTACTGAGCATGCGAAGCAACGGCATCACATCATTGGTCAGT  
ATGTGGTTGGTCGCGAAGGACTTGTGCAAGATTTTGGCGCCAAGGATCAAGGCATGTCCAATTTTCTCAAAAA  
CTTCTACAGAAGTAACTACTTCTGAACCTTCATCTTCTGGAATTATTCCAGTGGAATATGATATCCATAGTTTT  
AATTTGTGATCTTGAGTAATAATGAAGGAACTATACCTGTCCTCTAGACCATGACATTATTTGATCGTTTTGTG  
GGATTGAATTGTTGGTATATTATAACCAAAGCAATCCAAGATCTTGTCTTATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAATGGTGTCTACTCTATGCTTTGGTTCCAGATGGTGTCTTCTCGGTTTCGATTGGCTTCATTC  
ATCACTGCCATTTGTATAAGTTCTATACATTATATAACTTGAAAAGGGACTGTGGTCTCTATTTATATATAGAGA  
GAGAAAAGTAGAACGAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2655 NM\_102563|Arabidopsis thaliana DPL1; carboxy-lyase/ catalytic/ pyridoxal  
phosphate binding (DPL1) mRNA, complete cds

TTCTTCTCGATATGAACAACATAATGATTTTCTCGTTTTCTTCATCATCATTTTCATCTTCATCTCCATCCACTCT  
CTCGCAAGTGTTTCTCTGTTCCACGCTATCTTCTAATTCGCTCTTCTTATTTTTCTTCTTCTTCTCTCTCTCCC  
TTTGCACTAAGCTTTTGTATCACTTTCGCCATGGATTCTTCTCTCAACTCGGTTTTGGTGGAATATAGAGCCTCT  
GCCAATGCTTTCCTGTCCAAATACGAGCCACTGGCTCTCGTTTTTGGTCCTCTTTTGGTCCTACTATTGGCTCGG  
CTGCTTCAGTCATTTCTGGATCTTGTTTACGAAGCAGGACTTAAAGCTACCTTCTTATCGTTCTTCATGGCTACG  
ATTAAGTTAATTCCTGGGGTGAAACGTCGGATCGATTCTGAGAAGCAGAAGGTTGTGGAAAAATTACAATCC  
GGCGGTAATTCTAAAAGAGAAAGTTGGAGGACTGAGTTGCCAATGGCCGGCCTGGGAACTGAAGTCATTGA  
GAAAATGAAAATGAGAAACAAAAGATGTGGTTTGGCAAGGAAAATGCTCGGGTACAGTCTACATTGGAG  
GATCTGAATCTGAAGGTCATTTTTCTCTCATAAACGAGGCATGTTCAATGTTTGCACATACAAATCCTTTACATT  
TGGATGTATTTCAAAGTGTTGGTGCAGTTTGAAGCTGAAGTAGTGGCCATGACTGCTGCTCTTCTTGGCAGTAA  
AGTGGAGGCTTCTGGAGGGCAAATCTGTGGAACATGACATCAGGAGGAACTGAAAGCATACTGTTGGCTGT  
GAAGTCAACACGTGACTATATGAAATCCAAAAAGGGAAATAAAAAACCTGAAATGATAATACCTGAGTCTG  
CACATTCAGCATATGATAAGGCTGCTCACTATTTTA

>trans\_c\_2656 AF073830|Solanum tuberosum fructose-6-phosphate 2-kinase/fructose-2,6-  
bisphosphatase (F2KP1) mRNA, partial cds

ACGTAATGAGGTAGCAGCTTTAGCTATGGAGGATATGATATCTTGGATGCAAGAAGGTGGCCAGGTTGGAAT  
ATTTGATGCCACAAACAGTACCAGGAAAAGGAGAAATATGTTGATGAAATTGGCTGAAGGAAAATGCCGGGT  
ACAAGGATCATAATTGAAAATAGCAGAAAGAGTTTCAGAAATATTTAGTTATTTTCATTCTTCATCTTTCACTG  
CAGATAATTTTTCTGGAAACCTATGCAATGATCAACGCATCATTGAAAGGAATATACGTCTTAAAATACAACAA  
AGCCCCGATTATGCAGAAGAGCCAGATTTGAGGCTGGATATCGAGACTTCAAAGCTCGACTAGACAACATG  
AAAAGGTTTATGAACCTGTTGAAGAGGGGTCTTACATTAATGATTGACATGGTTAGTGGCCATGGAGGAC  
AGATCCAAGTCAATAACATCAGTGGTTATCTCCCCGGGCGAATTGTCTTTTTCTTGGTGAATACCCATCTCACG  
CCACGGCCGATACTGCTTACTAGGCATGGAGAGAGTATGGATAACGTTAGAGGCAGGATTGGAGGTGACACC  
GAATTAAGTGAGGCTGGAGAAGTTTACTCTAAGAAGCTTGCCAACCTTGTGAAAAGCGATTGAAGTCCGAAC  
GTGCTGCCTCTATTTTGGACCAGCACACTTCAGCGAACCATTTTGACCGCAAGTCCTATTGGTGGATTCCCTAA  
GATTCAATGGCGTGCACCTTGATGAGATATATGCTGGAGTTTGTGATGGAATGACATATGAAGAGATAAAGAA

AAACATGCCAGAGGAATACGAGGCACGTAAGAAGGACAAATTGAGATATAGATATCCTCGTGGAGAATCGTA  
TTTGGATGTTATCCAAAGGCTTGAACCAGTAATTATCGAGCTTGAAAG

>trans\_c\_2657 AY106451|Zea mays PCO082226 mRNA sequence

TTGTCTTCTTTTAACTTACCAAAATCAAAACCACTCGAAGCTCATCTCTCTCCTCTCCTCTCAACAATGGCG  
GCCTCTTTCTCCATTCAAGGCTCTCTCTTCTCTCTCTCTCTCTTTTGCTACTACTTCTCTCTTTCCCTCC  
GCCAGACCCACCGCCCTCTCTTCTCTTCCCTTCCCTTCAATTCCCTCCGCCGCATCTCCCCAAACCCCTCCGAT  
TTTCTCTCTTTCCACCTCCAAATCCACCATCTCCGCCACCATTTCCGTCCGCCGACAAGCTTCCCGACTCCACATT  
TTCCTACTTAGACCCCGCCGGCGAGCTCCAAACCACCACTGTTCCGACCTCACCAAGGGAAAGAAAGCCGTC  
TTCTTCGTGTACCTGGTGCTTTCACCCCACTTGCTCTCAGAAGCACCTTCCCGGTTTCGTGAGAAATCGGCT  
GAGCTTAAGGCCAAAGGAGTTGATACTATCGCTTGATTTTCACTCAATGATGCCTTTGTGATGAAGGCGTGGA  
AGGATAACCTTAATATCAAGGATGAGGTTCTGTTGCTGTCTGATGGGAATGGGGATTCTACTAGGGCTATTGG  
GTGCGAGCTGGATTTGAGCGACAAGCCTGTTGGACTGGGTGTTAGGTTCGAGACGTTATGCGCTTCTTGCTGA  
GGATGGAGTTGTGAAGATCTTGAATTTGGAGGAAGGAGGTGCGTTTACCTTCAGTAGTGCCGAGGACATCCT  
CAAAGCTCTTTGAATGAGATGAGATAAGAATAAGATAAGGAGGTTCTTTTCTGTTTTCTGTTGGTCTCTATCAT  
TTTCTTCTGTTTGTGTTGGCTCACTAATAGGGTAGCAGTTTCACTTTTGGCGAATAAATGAGATCCAATAC  
ATATTTTAGAATAAATTTCTGAGTTCGTT

>trans\_c\_2658 DQ393831|Cucumis melo cultivar Vedrantais eukaryotic translation initiation factor  
4E mRNA, complete cds

AGGGCGGTGCCATTCTTCTCGGTTCCCTTCCATTGATTGATTCTTCAGATAACTCTCCATTCCACAAAG  
CACTGAAAACCCAAAATGGTAGTTGAAGATTCGATGAAAGCTACATCGGCGGAAGATCTTCTAATTCCATTG  
CTAATCAAAACCTAGAGGACGTGGCGGTGACGAAGATGAGGAACTTGAGGAAGGTGAGATCGTCGGCGAC  
GACGACCTCGACTCCTCCAATTTGTCCGCGTCCCTAGTGCATCAGCCTCACCTCTGGAGCACTCTTGGACCTTT  
TGTTTCGATAACCCATCTGCCAAATCCAAGCAAGCCACCTGGGGTGCGTCTATTGACCGATCTATACCTTCTC  
TACCGTCGAGGAGTTCTGGAGTGTTTACAACAACATTCATCATCCAAGCAAATTGGCGATGAGGGCAGATTTG  
TACTGCTTCAAACATAAAATTGAGCCTAAATGGGAAGATCCCGTTTGCTAATGGAGGGAAATGGACTGCG  
AACTTTCCAAGGGGAAAATCTGATAATGGCTGGTTGTACACGCTGCTTGCTATGATCGGAGAACAGTTTGACT  
GTGGTGATGAAATTTGTGGAGCAGTTGTTAATGTTAGGTCTGGGCAGGATAAAATATCAATTTGGACGAAGA  
ATGCTTCCAATGAAGCTGCGCAGGCGAGCATTGGAAAACAGTGGAAGAGTTTCTTGATTACAATGAGAGCA  
TTGGCTTTATATTCCACGATGACGCAAAGAAATTCGATAGACATGCGAAGAATAAATATATGGTGTGATCTGT  
ACGGTTTCTAGTGCGTGCGTGCGGAGGAGGATAACTCGTCCTATTCTGCAAGCATGCTGCTGCATCTCGGC  
ATGTAAAGGTTGAGCTGTGGCTAGTGGGTACTACTTTAGTTCCAC

>trans\_c\_2659 NM\_001065930|Oryza sativa Japonica Group Os07g0291100 (Os07g0291100)  
mRNA, complete cds

AAGGCAGTGAAGTCTGATCGATCTTCTCTCATTCTCCATCTTGTTCTTGATTTCTTCCCAATTCTATCGAAGTGAG  
CTTCTTCAGCTTTCTACAATTCACCTTTGGTTCGAAGGTAAAAACACATGGGGAGAGAGGTAGCAGAGAGTTGC  
GTTGACAGTCTATTGACGGAAATGGTTTCCACTTATTGCCATCGATTCTACGCCAATAAGCCGGAGCTAGCCGC  
CCGTCGGATCGAGGCAATTGGTTATCAGGTTGGCCATCAGCTCTCCGAACGGTATACGATGGAGCGGCCTCG  
GTTCACTAATCATCTTGAAGCAATCAATTTATCTGCAAGGACTTCTGGTCTGAACTCTTCAAAAAGCAAATAG  
ACAATTGAAAACAAATCATAGAGGCACCTTTGTCTTGCAAGATAATCGATTCCGCTGGCTTACTCGCATGTCTG  
GTGGATCCTCAAAATGAATCACAAGATAATTCTGCAGATGGTGAAAACAAGGCAGCTCAAGCAACAAGCATG  
CATCTATATTTCCCATGCGGAATCATTAGAGGTGCTCTTCAAATTTGGGAATTCCTTGTCGGTTTCTGCTGAT

ATTTCAAATCTTCCAGCATGTTCAATTTGTTGTTTCGTATAAAGGCCTGATGAGAAGTGTATCAAAAAGTAGAGAT  
TTTATCTTTGGGATATGAAGACATGATAGATCCTTAACACCACTCTCCAGTTGCAATCCTTTCTGTCCTGTTTCC  
TTTTTGGCTTTCTCTATTCTCTATCTTCTCCTAGTTTCATGAAACTCTTAGCACAAAAATCTGTTGGACAAACGTT  
TGTGTATGTATGAAAGTCAATAGCGATTTCTTTTCAGAATTCATGACTGTAGAGATAGTTGAGGTTTATTTTA  
TATTTTACCATTTGGGAGGACGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2660 EF614285|Malus x domestica cytochrome b5 (CYB5) mRNA, complete cds

TGCTTTGTAGTCAAATATAGAAGACAAGAAGACCTTACTGATTTCAATTTTCGCGTTTCTTCATTTTCTTTCAGTCT  
TTAGTCTGTAAGAAAGCCAACCTTCTGTATCTTCAATCATCGATTCTTAAGGATTTCAATTTCTCGTTTCTTCATT  
TTCTTTCAATCTTTAATCTTTGATGGCTTCGGATCCTAAGCTTTTCGCTTCGATGAAGTGGCTAAACATAATCA  
CCAGGGGGGATTGTTGGCTTATAATCTCTGGAAAGGTTTATGATGTCACCCCTTTTCTGGAAGATCATCCAGGA  
GGTGATGAAGTCTTGTTATTAGCTACTGAGAAAGATGCAACCGAAGACTTTGAGACTGTGGGTCACAGTTTAT  
CTGCAACAGAGGAAATGGAAAAATATTATATTGGCAATATCGACATGTCTACAGTTCCAAAGGTTGATTATCG  
ACCACCTGCATCCAAATCAGCATCGACAGAAACCAAGCAGCAGCAGAAACAACATCGTCGAATCAATCTTCA  
GGATCTTTGATAAAAGTGTGCAACTTTTGATTCCTTTGCTGATTATAGTTGTTGCATTTTATCTGCAATACTAT  
GGTAAAAAGCAGTAATCGAAATTCTCAAATCATGGATGCCTTGAGTTTTCGAATAAGCCAGAGATAGGTAGAC  
ATCTCCTCATCATTCTGTTAAACACACTCTATCTAGGTTTCTCTGCCCTTTGACTCTTACTAATTTGTGTGTA  
GAGAATTTTCATTTGTTTCTTGTTTCATTCATAATCCTGCTTTTCTTTGTCTATTGTTTACAATATTCAAGTTTCT  
GTGCTGATTTAACACACCAGATATATCAGGTTGAAGGTAGATGAAATAATGGGTTGTCTAAATTTGGTCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2661 NM\_118625|Arabidopsis thaliana thylakoid lumenal 17.9 kDa protein, chloroplast  
(AT4G24930) mRNA, complete cds

AACCAAAAAATGAGTTCGCTCCAATTCGCCCTCTACTGGTTTCGCCATGGAAGAAGAAGGACAACAACAACA  
ACAAGAACCAGTACCACTCCCCAGTCTCTGTTCCCTTCATGTCCGCTCTTCAAAATGTAAATCACAAGCCCATT  
TCCTCTCTCATCTCCTTTCTTTGCCCTCTCCATAACCCTAACCTCACCATTTCCTTCTGTGCAATCCCTTCTCTTA  
ACTCCCTCTCCTCTCCACTTTCTCCCACCACTCCATTTTCTCAATCCAAGAACCTACCAACCGGACTGGAAAATG  
GGAAAATTATGCCCTGCCATCAACCAATCCCTCTTGTTTCCACAAATCCCAAATCATCTTCTTTGCTTTCCC  
TTTAAACATTCTGATAATTTCAAGTGGGAATCCAATTCAGAACTGCAAGAAGCAATCCTTGAAACACAGAGG  
AATCCAAAAATTCAGATGGTGGAAGATACGCCATATGGTCAATATTTACAAGCTGAAGTACATGGGAACTTTG  
GTCGAGATGTGATTGAGTTTCTGGTGAAAGGAGATGTGGCCGCATACAGAATCATGGCCTACAAAAGTGACT  
TATGTGTATCCTTTCACAACTGCCTTAAGGGGGATTCCAAAGGACAGGAAGAACGAATGAGGAAGATCATAG  
ACCAATTGCATTGGTATTCTCAACCTTCGATTCCATGGATGACTAATACAAATCCTCTGCTTCTTTCTTTATTCT  
TTATTTTCTTCCCTTTTCAATTTTACTCGATCTGACTAACTCATTTTCAGCCGCATTTATTTAGCCATCTATAA  
AAGAATGTTCAACTTCATTACTATTATCTTGTTCATATATGGTGAGTTATTTATACCAACTATTGTTTGGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2662 NM\_001059878|Oryza sativa Japonica Group Os04g0523000 (Os04g0523000)  
mRNA, complete cds

ATAGTTCTATCATCTCACATCTCCATACATAGTCACAGAGTTTGCATAAGCTTCGCTCTCAGTACTCCAATGGCG  
AAATTAATCCCAATCTCACTCTCAACCTCACTAATCGCATCCATTTCTTCTCCTCTCCCCTTACAATCTCCTTCCA  
ATCCTTCAATACCACACCCAATTGTTCTAAAAACGCCAAAAACATAAGCAGAAGGCTAGGGTTAGGATTTCATA  
GCTTTAATGGCGTCGTACGTAAGTACGATACCGGCAGAAAGTGGCGAATGCTTTAAATCTGAAATTGATCGCGC  
CGGAGCAGAGCTTAGACGAAGCTGAGCGCGGAATCAGAGGCCACGCGGAAGCGCTTTTGCAGGCGAGAAGC

TTAATGGAATCGGAAGCTTGGAACGAAGCTCAGAAGCGGGTGAGAAGCACTTCGGCGCTGCTTAAACAAGAT  
CTGTACACTATAATTGAATACAAACCGCCGGCGGAGAGGCCTGCTCTTAGGAACTCTATTCTCTTCTTCAA  
CAACGTTACGCGAATGGATTATGCGGCGAGAGATAAAGATGCAGGAGGAGTTAGGGAGTGCTATAAGAAGA  
TGGAGATGGCCATCTCTGATATTTTGTCAAGAATTTAAAAAGATAAGTGAAGGTTTTTGATTCTGATCGATCAA  
TTAATTCGATGCAATGAAATCGAAAATTTAGTTTGGTGTCTTCAAATCGGAGGATTCTAGTTCTTGATCAGTA  
ATTGTCATAAATTTTGTAGTTGAGTTCCAATATTTTAAATGTGTGTGGCTGAATTTTAGGTTTCCAAAATTATA  
GATAGTTATAGATTTTCAATGGTAGATATTTGTTAGTATTTTGACTATTGTGTTTGTTCATAGAAATTTTATTC  
GTTGAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2663 NM\_121228|Arabidopsis thaliana eukaryotic translation initiation factor SUI1 family  
protein (AT5G11900) mRNA, complete cds

ACCCTTTCCTGTTCAATGCCTCCGAATCTCATTCTCAAGCAAACAAACCAAGAACAGCGAGAGAAAAAGAA  
AATCTCTTTCGCACCAAAAGGGGGCGGAGAGACTGTTCTCGAGGAGCTTCAATGGCGGAGAAACCCCAACC  
GGTGCGCGTTTTGTACTGTCCGGTCTGCAGTTTACCGGCGGAGTATTGTGAATTTGGACCCGATTCGAAAAA  
TGCAAGCCCTGGTTGATCCAAAATGCTCCCGACCTCTATCCCGATCTCCTCAAAGAGGCCAATGCGAAGGAAG  
CTGGTGAAGTTTCTAATCAACTGCAGTCGACCAGTATCTCATCTGCTGCTGGCGATGGAGCTGCTTCTTCAGGA  
CCTAAGCAAGAGGAAGTGAAACGTCTTCCGGTGGCAAGATAAAGAAAAAAGATAAGCAAGAAGTTGTTATT  
GAGAAGGTTACACGAAATAAGAGAAAGTGTATTACAACTGTAAAAGGATTAGACCTTTTTGGAGTTAAGCTA  
AGTGATGCTTCAAAGAACTTGGGAAAAAGTTTGCTACTGGTGCCTCTGTGGTTAAGGGGCCAACCGAGAAA  
GAGCAAATGATGTTCAAGGAGACATAGCCTATGACATCGTGGATTTTATTACGGAGACTTGGCCTGATGTTT  
CAGAACTGCAATTTTCTTCATCGAAGATGGGAAAAAGTTCTGCTGCTTGACATTGAAATCGTGGCAAACA  
AATAATATGGACTTATGTGCATCCTTTTCCCTACTTGTGCGAGTCCTTTTAAGATTCCACAAGTAAGTGGCCATT  
ACAGTTTTTTTGTAAAGTTCCAAAACCTATGTATTGGATCAGGAGACTTTTTGTCCCGCTTTTCTTCATCCTTG  
TAGCCTTTTCTCAGGAGATGAGCTTTATTGATTTTGGTCTTTT

>trans\_c\_2664 XM\_002886123|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L6 family protein,  
mRNA

ACGCCCCCTTTTCTTCAATCTTCAGTTCAGCTTCTCCCCGTCGGCCGACCATTCTTCGCTCGCCCTTCAAGCCG  
GCCGCCCCCCTCCGCCGGTGTCCAGTTGCCCTCTTCGACACTGTTCTGCTCCTTCATCATTTTTTCCGCCTTCCCTG  
TTGCTCTCCTTCCCGCCAACACTTTGGATTTGGTGTGAAATTTGTTTTCTGACTGCACTTAGGTAAGCAGGAAC  
ATAATGGAGGCTAAATTTTTTCGTTTCCTTAAGATTGTGGGAGTTGGGTACAAAGCCAGAGCCGAAGCAGCA  
GGACGCCTCTTGATCTTAACTGGGATACAGTCATGAAGTTGAGCTAACCCTCCACCAGCTGTTCTGTGCTT  
TTGCTTCAAAAACAATGTGGTATGTTGCACAGGGATTGACAAATATAGGGTACACCAATTTGCTGCTGCAGTT  
CGTAGCTGTAAGCCACCAGAAGTGACAAAGGCAAGGGCATCATGTATATCGACGAGGTCATAAAGAGGAAA  
CAAGGAAAGAAGTCTAAATAAGATAACAGAAGCACAAAATCCCTCGTTGATCTTTATTTCAGACACAAAGTGCC  
TCAGTTATGAATAATTGTTTTTGTGTATGCATGTTTTAGAGCATTCCATGAATTTAGCCATGCGACTGAACTG  
TAATTGCTTCAATGCCTATTCTTGAAATGTCATCTCATCGGTATTGATGTTGAATGTTGAAGAATGCAGACCA  
TGCAAGAAAAGGCTATTTGAGTTGAGCGTTGTGACCATTAACCTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTT  
CCTCTGACCACGTTGATCATTGAGGTTCAACTCTCATACACTGCTTGATTATGAGTAGTAATGCCCTCTTTTC  
TTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2665 EU159405|Solanum lycopersicum inositol-1,4,5-triphosphate-5-phosphatase (SPT4)  
mRNA, complete cds

ATTTTCGCCAGATCGCCTAAAGATGATGAGTATCCAAATCCACATCATCTCCTCTCACCATCTTAGGACATGA  
TCAAATATTTTGGTTTGGGGATCTGAACTATAGGCTGTATTTAGAGGACAGTTTTGCGAGGCAGTTGATTAAG  
AAACAAGACTGGGAAGCATTGCAAGGGTTTGATCAGCTACGGAAAGAACAAGAAGCTGGTGGAGTATTTCAA  
GGATGGAGAGAAGGGAATATAGAGTTTGGCCCTACTTACAAGTATTCTTCATCAAATTGCAATCGCTATTCAG  
GTGGTCCTCTAAGAAGGACAGGAGAGAAGCAAAGAACTCCAGCATGGTGTGACAGAATTCTATGGTATGGA  
AAAGGAGTGAGGCAACTCTCGTATTTCAGAAGTGAGAGTAAGTTCTCTGATCACAGGCCAGTCTCTGCCCAAT  
TTTAGCACAGATTGACCTGCTGGAAACCACAAATCCAAGAGTTATTGCTCTCAGCAAAATTTCTCCCTCCATAC  
CTTCTCCCAAACAGACGGAGAAGGGGGAACTAATGAAGAATCAAAATCTACCCTGGCAGCATTGATGGTAA  
AGGATAGGGAGGAATCATCACCATGCTTGCGAAATTCATAGAACAAGATATAGAACAATTACAGAGTAAGA  
AAGTTACTGGGAGCTCGGGGATTAAGACTGCAGGCTGGGTATGTACGGAAATGAAGTGACTTAAATTATCTT  
GGTCTCTTTCAAGTTCACATCAAATTTTTAAAAAAAATTCTACACCGTTCATCTGGATTTCTGTTGAACCTGTGA  
ATATAAATGTAGACAAAATAGAGAAGAACAAGATAGTCATGCAAAACATTTTGACTCGCTGAGATATTAG  
GAGGGTCAGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2666 NM\_001035615|Arabidopsis thaliana structural constituent of ribosome  
(AT3G13882) mRNA, complete cds

TACCCTACGGTTTCTCGCACTTTTGTTCCTCCACCCCCACCTTCGCCACAGCGCATACCGCCGCTAACCCAC  
CGGGAATTTTCTTTCTTCTCCCTCGCTCTCCAGCGCCACCCACACCAACCTTACATTTTGTTCACACTGCCACG  
CCCACCTTTGATTTCTAAGGGTTAGTGAGCTCGTTCTTTTGCTAATGGCGTCCAAACTTCTTATTCGTACGGGAA  
ATTCTTTCATGAATCGATTACGATTAAGCTCAGCGCATCAGAATAACAGGATTTGGGGTAGCCAAGCTCTGTCC  
CATGGCCATGGCGTTGAAGTCACTCCGATGCTTTTTCTTCAGTCTCTAAGCACCAGATTGCTCATCTTTGCAG  
CAGAATGACACCGAATCGTTGAGGCAGCTCCAATCGGAAGGCATTTTCTTCTTTTGGGCTTCGTCGCTCCG  
GTTCTTCTGCTGACGGAGATGCTTCTTCAACACAAGAACCGATGCTCTTATTCCTAAAGGACATTTCAACC  
TAGCACCATCAGGCGAAAAAGGAATCATGGTTTTTTTGTCTGCAAGCAACCAAGGGAGGACGGAAAGTTAT  
TGCTCGAAGGATTGCAAAGGGGCGCTCAAGAATAACTGCATAATATTCATCTCAAGTCATGTCCATTTAAATT  
GCCCTGCCAATATCTGGTTGTGTAGTTTTTAAATTTAAATTAACCTCAATAGAATGGTATCACTGGCTGAAT  
AATCCCCCTTTGTGCGTTTTCTTCTAGGCCTCGGAATACAGTCTGTATAACCTTCCATATTGAAGTTTCAGTT  
ACTCTTCATTTTTATTTCTTTCTAACTCAGCTAGAGAATAGTTTACTTTTGGTTCATGGTTGCTGTTGATACTGG  
CTCCTGAGCAAAATAACATAAACCCAA

>trans\_c\_2667 NM\_120386|Arabidopsis thaliana phosphatidic acid phosphatase-related / PAP2-  
related (AT5G03080) mRNA, complete cds

AAACACAAAATATCTTAATGAGAAATAACAAACGACCATTTTCTTGCTTCGTCCACGACTTCAAGTTTCCATCAC  
CCATTCGTAATTTGATTCTTTCGTCTGTGACAAATCCTTTTCTGTTTTCTCCGATCTCAGGCATTCAAATTCGTT  
TCGTCTCCGATCCGATCTATTTATGGTTGTCTCCTTCTAGTTCCTCCATTGAAATTTGATTCCACTTCCATGGCGG  
CGGCACCACTCAAGGCGGTGTCTTTGACCCATGTCCGGTACCAGAGGGGAGATCAGCTCGGCCATTTCTTAGC  
TTGGGTTTCTTTGGTCCCGGTCTTCATTAGTCTCGGTGGATTCTCTCACTTCATCTCCGTCGCGAATTACA  
GGGTATGTTCTTCGCGCTAGGGCTTGTAATCTCTCAATTCATAAATGAATTCATCAAGACCTCCGTTGAGCAAG  
CCCGTCCTGAGACGTGTGCGTTGTTGGAAATGTGTGATTCCCATGGTTGGCGTCTAGTCACTCTCAGTATATG  
TTTTTCTTGTCTATACTTCACTCTTTTGTCTATAAAGGGATTGGACTTTGGGGTACTGAAAGCAAGTGGGT  
GTTGAATCTATTAGCTTGGTCTTTGGCTCTTTGACCATGTATTCGAGGGTCTATTAGGATACCATACTGTTGC  
ACAGGTTTTTGTGAGCTACACTTGGTGGTCTTCTTGGAGCTTTGTGGTTCTGGTTTGTCAATTCTGTGCTTTT  
CTGTTACTTCCCGGCTATAGAGGAGAGCAATTTGGCAGGAAGTTTTACATTAAGGACACTTCTCATATAAGTA



ATGTTTTGAAATTCGAGTATGATAAAGCAAGAGCTGCCAGAACAGAGTGGGACTGTAAGTGTGATTGATCGA  
GTTGGATCTGATATGTGAGAAGGGGAAA

>trans\_c\_2668 AY335817|Gossypium hirsutum transaldolase mRNA, complete cds

CCCATTCCAATTCCAAAATGTCATTCTCTTTGCAATCTCCGCCATCTGCGACCATTCCCCCGTCGCTGTCGCCG  
TCGCCCTCCTCCTCTTCCTTCCTTCAGAGAAAATTGGGGTTCTCAGCTGGATTATTCACACCCTCCATTCTAATTT  
CCCATTCCCCTACATCTCTTCCTTTAACTTCTGCTTCCTCCGGCTTCTCCTCTCCCTCGACACTGGGTTGACATCT  
GAGTTAGACGCTGTTTCTAGCTTCAGTCAGATCGTTCCTGACACCGTCGTTTTTGACGATTTGAGAGGTTTCC  
TCCTACTGCTGCTACTGTTAGCTCTTCTCTCCTTCTGGGCATATGTGGCCTTCCTGATACCATATTTAGAAATGC  
GGTTGATATGGCGTTGGCCGATTCTCAATGTTTTGGGCTAGACAACCCCGAATTGAAATATTCCTGTATTTTTA  
ACAAGGCTCTAGTAAATGTTGGTGGTGATTGCGCAAACTAGTTCCTGGACGTGTTCAACTGAGGTGGATGC  
GCGTGTTGCGTATGATACGCATGGCATTATCAGAAAGGTGCATGACCTGCTGAAATTGTACAATGAAATCAAT  
GTTCTCCTGAGCGGTTGTTGTTCAAAATTCGCGCAACTGGCAGGGTATTGAGGCCTCAAGATTGTTGGAAT  
CAGAGGGAATACAGACACATTTGACTTTTGTATATAGCTTTGCCAAGCAGCAGCTGCAGCTCAAGCTGGTGC  
CTCTGTCATTCAGATTTTTGTTGGTCGTCTACGTGATTGGGCTCGGAATCACTCTGGTGACCCTGAAATAGAAG  
CTGCACTTAAAGAGGAGAGGATCCTGGGCTGGCTTTGGTGACAAAGGCTTACAACCTACATTCACAAATATG  
GATACAGATCAAAGTTGATGGCAGCAGCAGT

>trans\_c\_2669 NM\_001052664|Oryza sativa Japonica Group Os02g0187500 (Os02g0187500)  
mRNA, complete cds

AGGCATTGCACCTACAAGTTTACGGTGGTGTGGCCTTTTGGTATGCAAGGCGCTATTATCTTGGCTGCACAAC  
CGCTCCGAGTAAAGTTGTTGCGGAGCAATAATTCCAGTACTGGCAATCCGTCGCTACAGCAGGCTCTAGCAA  
CCCAAGCTTGATGGCGGCCGCTGGTCCGAAGTGGGCTCAAAGACTGTTACGCTGTCTCCTCATAGGCGGGG  
CTGTCATCTCATCACCCCGAAGATAATGAAGGAAATTGGACAAGACTTGTGAGAATTCAAATATGGCCTTGCT  
CATATCTTCTTGAGCATACGAGTGCCTCTCTTACCATCAACGAAAATATGATTTCGGATGTTGAGAGCGATAC  
TGAAACCTTCTCAACAAGATAGTACCTGAAGGTACATCTGCTCCTTGAAGCATACACTTGAAGGCCCGGAT  
GACATGCCAGCTCACATTAAATCATCATTGTTTGGCTGTGCACTGACGATTCCCATACAAATGGAAAGTTTAA  
TATGGGTACATGGCAGGGAATATGGCTATGTGAGCACCGAGACCACCCCACTGCACGTAATATTGTGGTCACC  
CTGAATGGAATTTAGGAGGTATACGCTAAGAAGGGATGGAGCTTCTGCGTACACCGCCATTTCTTCTGTTGTA  
TCGATGTCAATAATAAACTGGTGTCCGCTTGGCATAACTGAACTGCCGACTGGGAGTATGGGACCATGTGAA  
ACCTTTCTTTCTTCTTTTAAATTAATAAAATGAGATCGTAGTTCGTGGTTTATTATTAGTTATGTTTGGATT  
GATTGATCTTTTTTGGAGATTAACTAGAAAAGAGAACAGAAACAGCAACAAAGAAAATTGAAATATGTAG  
GAGGGTTGATAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2670 X58245|Soybean mRNA for HMG-1 like protein

ATTCATGCGCAATTGAATTTCAATTTGCCATTCCCCTCCATAGGGACTTAATTATCCCCTTTTTTACTCTCATAA  
CTCCCTCTCTCCACCACGTTGCTTCTTCTCCTCCCCTTCTCTTCAAACCCTAAACCTAACCTAACCTAACCTCC  
TTCCCCAATTCTTCGTGCGATTGAAATGAAAGGCGGTAAATCGAAGTCGGAGTCGAAGAAAGCAGACAC  
CAAGCTTGCTGTGAAAAAAGGTGCAGCGGGTAAGAAAGGAAGTAAGAAGGCAGGGAAAGATCCTAACAAAC  
CCAAGAGGCCTGCCAGCGCCTTCTTCGTATTTATGGAAGAGTTTAGGAAGAAGTTCAATGAGGAGAATCCGA  
ACAACAAAGCAGTGTCTGCTGTTGGTAAAGCTGCTGGGCAGAAATGGAAATCAATGTCAGATGCTGAAAAAG  
CACCTTACATTGCTAAGGCTGACAAGAGGAAGGTTGAATATGAAAAAACATGAAGGCCTATAACAAGAAAC  
AGGCCAGTGGAGCCAACGCTGCAGATGAAGATGAATCTGAGAAATCAATGTCTGAGGTCAATGATGATGAG  
GATGGAGATGAGGGCAGCGAAGAGGAGGACGATGACGAGTGAAGATGTAGATGATAGTAACGTCATTTAG

GCTGTCAGTGTACTTGATCTTTCCATAATAATGGTTTGATCATTTCTGTGAATTGGTTTTTATATCATGAAAAT  
ATATTAGTATCTCCCTGCTATTTTGTGTGCATTAGTAACGAAGGGGTGTAATGGGAGATCATCTGCCTTG  
TACCTTACAATGTTAGTTATTCCAATCCAATGTGTTTTTAACTTTCAACTGAGATAACAAGAACATTCCACTT  
CACACATCGTGTGACAAGATCAAAACACTCACTTATGTATT

>trans\_c\_2671 XM\_002883053|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C2 domain-containing protein,  
mRNA

AATCATCGAAATTTTGTACATAGGAATTGTCAATAGTCAATGAGGGTGGAAGTAAGAGGATAAAACAAAATT  
GGGTATTTGTATTTCTGGATATCCAAAGAAGGAAAGGGAAATCAATAACCCAAACAGAAAAACAGAGTTTGT  
GTAGTTGGAGAACTTTGATTTAGTTTTGAAAATGGAGAATTTAATGGGATTGTTGAGAATTCATGTGTTTAG  
AGGTGTGAATCTTGCTGTAAGAGATGTTTGTAGCAGTGATCCTTATGTTATTTTCAAGATGGGCAAACAGAAA  
TTGAAGACTCGAGTAGTGAAGCAAAATATAAACCCAGAATGGAACGAAGATCTAACTCTATCAATCCAAGACC  
CAAGTCTCCCTGTCAACGTGCTTGATACGACAAAGATCTGTTCTCGCTGACGATAAGATGGGGGATGCGGA  
GTTTGACGTTGCGCCATTTGTGGAAGCCGTAAAGATGAGATTGAACAATCTCCAAGTGAACCATCATAAGA  
AAGATTCAACCAAGCAGGGAGAATTGTTTGTCCGAAGAAAGTTGCATAATTTGGGTAAATGGACGAGTTATTC  
AAAAATGTTTCTAAGGTTAAGAAATGTGGAGTCCGGTGAAATTGAGCTGCAATTGCAATGGATTGATATTC  
TGGCTCTAGAGGATTGTAGATATAAATTTGTAAAAGCTGAAAAAACCATATAAGGTACCTTATGAAATGGGA  
TTTTCTTTTGGACTTTTAATTATTTGGTGCCATTAATTAATTCTACCTAGTTGTGTTGTGGTCTACCAATTATAT  
CCATGGAATGAGTGGATATGTAGTGTGTTGCACAATGGTGTGTTAGCCCATCAACCTACTTTTATTTTGTGTTGT  
GATTTAGACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2672 XM\_002318590|Populus trichocarpa disease resistance protein, mRNA

AAGAAGACGAAGACGAAGACTCAGAGCCAAAAGCAGAGAAGCATAATCGGAGCTAAGGAAAAATGGCTCAC  
CTGAAGCTTGAAGGCGCCATTAATTTGAAGGAAGATCTCATCGCAAGCGCTTGGTCTGCCGCCATTAAAGCTC  
ACAAGCATCCTGAGAAGCCATTTCTTCTTGATAAACTAGAGATTCTCCATCATTAGCTTCGCCGGATCTTCGT  
CACCGGAAGCCTGGTTCTCTGCTTCCGATTCTGTTTCGGAGTAACCAAAATCGATACTCAGCTGTTTCCGTCC  
GTCAGGAGCATCGGCGTCGATGATTATGCCGTCTGCAATTCCGCATTTCTTCGCCGATTCCAGGGAATTTTCGG  
GAAGCTTAAGGAGGTGCTAAGAGTGAATAAGTCTGTGGTGTTTACCGGCCACTCAGCCGGAGGTCCGATAGC  
CATTCTTGCAACCATCTGGCTGTTGGAACAGCAAAGAAACCCAGACTCAAACCCATACACCAACTTCACTCCTA  
CATGTATCACATTTGGATCTCCCTTGTTGGTAACCTTCATTTCTCCCATGCTCTCAAAGGGAGAAATGGTCCA  
CCCATTTTGTGCACTTCGTCACAAGATACGACATCGTTCCACGAATCCATCTTGCTCCTCTGCCATCCTTACAAC  
CACAACATAAAACCATCTCAACTGCCTGAACTCGAGATCACTTGGGTCAACAATGAATCCAAACGTAGCTACC  
GAATTCTTCATGACGGTGATGAGGAATGCATCGGCTGTGGTAAGCAACGCTGCATGTCGTCTCATGGGAAAC  
ACTAACCTTTTGCTAGACACATTGAAAAACCTTGTAAGAAATGAGTCCTTATAGCCCTTTTGGCACATACATTTTC  
TTCACCGAGAGTGAGAAAGTGGTCGTGGTGAGCAAC

>trans\_c\_2673 BT029989|Arabidopsis thaliana At5g10010 mRNA, complete cds

AAAGAAGCATTGGCCTTGATCTTACGCTCAAAATCCCCAATTACAAAAACCTAACTCTCTCTCTCTCTCTCT  
CTCTCTCTCTTCACTTATCATCTCCATCCTTTTCCCTCTACATTGTAATTTTAAATCCGGATCCTTCGGTTTCA  
ATCCGCCGCACCATCCTCTTCTCCTTCTATTTCGATTCTCGTTCAATTTCTTACTCAGTTTCCGAACACAATGAG  
GAAGGGTACTAAAAGAAAAGCAACTAGAAAGGAAGAGGATAAACCTGCGGAACCTAAGCCCGAGAAATCTC  
CACCTCGAGCCAAGCGGACTAAGCTTCCCAAACCCGAATCCGAACCCGAGTATTTTGAAGGATAAGCGTAACAT  
GGAAGATTTGTGGAAGCAGCATTTCTGTTGGGACAGAGTGGGATCAATTGGACTCGGTTTATAAATTCACAT  
TGGAATTTCTCAAATCTGGAAGATGCATTTGAAGAGGGAGGAAAGTTGTACGGCGAGAAGGTTTATCTATTT

GGTTGTACAGAGCCTCAATTGGTTCCTTTCAAAGGAGAAAAATAAACTTACAATCATACCTGTTGTGGTGGCCG  
TTGCATCTCCTTTCCACCTTCTGATAAAATTGGCATCAATTCTGTTCAAAGAGAAGCTGAAGAGATAGTTCCC  
ATGAAGCAGATGAAAATGGACTGGGTTCTTATATTCTCTGGAGAAGAGAGATAGAAGAGTCGATAAATTG  
AAATCTCAAATATTCATCCTCAGCTGCACTCAGAGAAGAGCTGCTTTGAAGCATTTAAAAATAGATCGTGTCAA  
GAAATATGAGTATTGCTTACCCTACTTTTACCAAACCTTAAGGATGATGAATTTGAACAAAGCACTGAGGTTT  
CAATTATTTTCCCAGTAGAACCAAAGCCAGTTTTCT

>trans\_c\_2674 NM\_116084|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein (AT3G62190) mRNA, complete cds

GGGGAAGTCACGGAGAAATTTGAGAAATGCGGGGCGACGAAGCCAGAACCTTGCTTGGGTTCTCTCCTGGTT  
CCCGTCCGTCTTCTCTCAGGTTAAAGAAGCTTACAAGAGGATGGTCTGGGATACTCATCCTGACCTCTTCCCT  
GCTCATCAAAAGCCTCAGGCCGAGTCCAAATTCAAAGCTGATTTCCGAAGCTTATTCATGCCTTCTATCCGGTTC  
CAGAAATGGAGATTACATTACAGCTACATATGAAAGAGTTGTTAGAAGGGGAGTTCCTGTTTCACATGGAGG  
AAGACGAAACCACGCTTTGATCAAGCTTCCATTTCTGTTACTCATTCTGGGTACTGTGTCACTAGGAGGATTAA  
ATGTTTCGAGGGCTTACAAGAGGCAGAAGGAAATGTATCCTTCTCACAATCCTTTTCTTCTTGAGGCCAAGAA  
TGATGTAAAAAGCAAAAGTTTCAGAGGTTATGTTTGTTGATGCTATTGGAAAAAGAGGAAGGAATAAGAAGA  
CAGATGATGGTTGCGAAGTTACATAGCCCAAGTTGAGTGTAATTTGTTAGGATTTTCTACACATATATAATAC  
AGGTAAAGCTTCTTTTGTATTTGATAAGTGTGGACAAGACAATTTATATATATAGTCAGAGAGGGTTATAATT  
TAATTTGTATTTGGTGCGTAAATTGTTTTATTTTCGTTATAACAATACGTGTTAAATTGTAGCANAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAANGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAAAAATT  
TAAAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCCGGGCCCCCATTCCCC

>trans\_c\_2675 NM\_102725|Arabidopsis thaliana double-stranded DNA-binding family protein (AT1G29850) mRNA, complete cds

AGAGTTAGAAAGGCGCCACAACCTGACCCTGAGAGAGTTACGATACGAGCGACAGGGGAAAAAGGTGGGTC  
GCGTCTATCAACGCAACCGAGCAGTTCTCCCCCTCTCTTCGTTTTTCTCCCCAGCTTATAGAGAAATCATT  
CAACTCTACTTCTACTAACTGCTACCTCCATCCTCGAAACAATGAATGATCCAGAGCTAGAAGCAATCAGGCAG  
AGAAGAATGCAGGAACCTCATGGCCCAGCGTGGCATGGGGAGCCAAAATAATCCTGAACAACAGAAGGCCCA  
GGAAGAAGCTAGGAGTGAAGCAGAGGAACGTAGGCAAATGATGCTGAGTCAGATTCTGTCAATGCAAGCCA  
GAGAAAGACTTTCTCGAATTGCATTGGTTAAACCTGAGAAGGCACGAGGTGTCGAAGATGTTATACTGAGAG  
CTGCACAGATGGGCCAAATTGTAGAGAAGGTCTCTGAAGAGAGGCTTATTACATTGCTAGAACAAATCAACA  
ATCAGACCACAAAACAGACGAAAGTCACTATACAAAGGCGTGAAGCGTTCTAGAGGATGACGATTAGCAAG  
TGAGATGTGAGATGAATTGCATACCTATGTGATATAATGCATATACCAGCAGTCTTGTTTTATGTTTATTGCT  
CGCGTGAGACAGTATCAACCTTTTTATCTATTACTCTGCTGTGTTATTTTATGGGAATATTCTCATGTGAGAATG  
CGAGAGCTCCTCGGAGTTAGCTGTTATTACTCCATTGTTGCGGTTATATTCGCCAAACTATCAAGTATCAACCT  
TGAAATATTATTTTGCTTTCTAATTTGTGATTGTTAAAGTGGAATTGATTTTCCTTCAATTCTGACTGTTTAATT  
TAGAGATTGATTTGTCCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2676 X85216|P.vulgaris mRNA for pectinesterase

AGTGGATAATGGGCCATTGCCCTTGTCGTCAGAAAACCACATGGTGGACGTGTCAGCCATGTGAAGCTGTTGC  
TGGCAAAGGGTTTATTGGGAAGGACATGGGGTTCATCAACACGGCCGGTCCAGCCAAGCACCAGGCCGTTGC  
CTTCCGGTCCGGCTCCGACCTCTCTGTGATGTCTGGATGTTCAATTTGATGGCTATCAAGAACTCTCTACGCC  
ACTCAAACCGTCAATTCTACCGAGACTGCGATATCACCGGTACCATCGACTTCATCTTCGGCAACGCCGCGGTG

GTGTTCCAGAACTGCAACATCCGGCCGAGGCAGCCACTTCCCAACCAATTTAACACCATCACAGCCCAAGGTA  
AGAAGGACATCAACCAAACTCCGGCATTTCGATTCAGAAATGCACTTTTTCGGCCTACAATAACAGTCTCAGC  
GCCCCACTTATTTGGGGCGGCCATGGAAGGAGTTTTCTACGACGGTGATTATGCAGTCGGAGATTGGAGGA  
TTCCTGAATCCGGTTGGGTGGAAGGAATGGGTGAGCGGGCAGGACCCACCCAGCAGCATATTTTATGGTGAG  
TATCAGAATAGTGGGCCAGGATCAAACGTGGACAAGAGGGTCAGATGGGCCGGTTACAAGCCAGTCTTACG  
GATTCCGAGGCCGAAAGTTCACCGTTGGGACCTTCTGAACGGCGAGGATTGGTTGCCGGCTACCAATGTA  
AACTTTGATACAACCTTTGTAATAAACACATAAAAGAAGAAACCCACAAGGACTTAAATTTTTTTTTTTTGGATT  
GTTTTCTTTTCTTTTGGTTTGCCACTATCTACCTTTGTTAGGGCCAAGTGTGAAGGAAGATCAGATTATTTT  
TTTCTATTCTTAGAATTCAATAATTGTGAAGTATATTATGA

>trans\_c\_2677 XM\_002876605|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata metal ion binding protein, mRNA

TCCAAGCAATGAAATGGAGCATAAGACTAAGGCCTGGGAGGTTTTTTACTGTGCCTGAGGCATTGAGAGCCC  
AGCACGAGTCTCAACATGGAGATGCTGTTATGGAGGCTGTTGTGAAGGCTCGTTGTGGTTCTGTTTTGGGCAA  
AGGCTCTATTCTTAAAATGTACTTCTTCTGGGCAGAGAACTCCAGCTATATACAAATTCATGGTGCACCTCA  
TGTGTTCAAGGTTGATGGATACCCAGTATATAGCATGGGAACTCCAACAATTACTGGAGCACGAGAGATGCTA  
GCATATTTACGTACCAAGCTCGAAGTTGATACATCTACTCTGAATGTGACAATAATTGATCTCAGAGAGGAGG  
CGGTAGTGTACATCAATGATACCCCATTTGTCCTCAGGGAGCTGAATAAACCCCTTGATACTCTCAAGCATGCT  
GGAATCACCGGTCCAGTGGTAGAACACATGGAAGCTCGACTAAAAGAAGATATATTGTCAGAAATCAAACAA  
TCTGGTGGCCGTATGCTTTTACATCGTGAGGAATATAATCCATCATCGAATCAATCTAATGTTATAGGATATTG  
GGAAAGTATCTTTGCTGATGATGTCAAGACTCCTGCTGAAGTTTATGCACATCTGAAAGATGAGGGACATAAT  
GTTGCTTATAAGAGGGTACCATTGACCAGAGAAAGGGAAGCATTAGCTTCTGATGTTGATGCAATCCAGTTCT  
GCAAAGATAACTCTGCAGGATGCTACCTCTTTGTATCACACACAGGATTTGGAGGAGCAGCATATGCAATGGC  
GATTTTATGTATAAGACTTGAAGGCGAGGCAGATGCTTTGCATCAAATATTCCACAAACCATGACTAACACA  
GAATTATCTTACGCATATGAAGATAATTTGCATGCTCAGGC

>trans\_c\_2678 XM\_002892002|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acyl-CoA thioesterase family  
protein, mRNA

GTTATGAATCTTTCTCATATTTATGCTTTAAATCTATTA AAAATGAATAAAATCATGAAGCCGTAGCGGGAGGC  
ATTCACGTAATTCCGTTGCTTATCTTGATCCATTACTTTCAGTTATTCCTCTTCGATTATCATCGATTCAACGTGC  
AATCGAAGACCACGCTTTTGATTCAATCGTCATGGACCTAGAATCAGTGATTGAGTTTCTGGATGTGTTCCGC  
TGCTACAGAGGCTGCCTAGCTCGTCTTTAAGGGCAATTGCTGAAGTTATTGTCGTTAAGCGCTACGAGAGCGG  
AGACTACGTTCTTCGTGAGGGTGAAACGGGAGCTGGAATCTATTTCATATGGGAGGGAGAGGCTGAAGTACA  
TGGCGTTGATGAAGATGGGGAAAATCGTCCGGAGTTTCAGTTAAAGCGTTATGACTATTTTGAACCTTAGCG  
TCTGTACAGGATGCTGATATAGTTGCTCTGTATAAGCTTACATGCTTGATCCTACCTCGAGAACATTATTCATTG  
TTAAATCCGATGTGCATCTGGAATGCCGACAGAACTCCTGATGCATGTGCACTTGTTGAGAAAATATTGCACCT  
AGAGCCTCTGGAAGCAAATTTATTCCAAGGGATTACTTTACCCGAGGCTCCAAAGTTTGGAAGTTTTTGGT  
GGGCAGCTAGTTGGCCAGGCACTGGCAGCAGCATCAAAAACCTTTGATTGTCTCAAGTTTGTCCATAGCTTGC  
ATACATATTTTCTTCTGTCGGGGATTTTGATATGCCAATTATATATCAAGTTCATCGTCTGCGTGATGGAAGCA  
GTTTTGCTTCCCGGAGAGTGGATGCAATACAGAAAGGAAATATCATTTTTACATTGCTTGCTTCATTTAGAAA  
GAGAAGAAGGATTTGACCACAGATAGCAAAATG

>trans\_c\_2679 AF346306|Elaeagnus umbellata S-adenosyl-L-methionine synthetase (SAMS2)  
mRNA, complete cds

CGGGGTACCGTTGAGCTTCGCCTTCTAATAGAGCTCTGGTTCGGTTGGCGTATTAGCTCGAATTCTTTCTCTCTT  
CCAGATCTACGCTGCCGATTTCATCAGAGATGGAGACCTTTCTATTTACCTCTGAATCCGTAAATGAGGGTCAC  
CCCGACAAGCTCTGTGACCAGATCTCCGATGCGGTGCTTGACGCCTGCCTAGCTCAGGACCCCGACAGCAAGG  
TCGCCTGTGAGACCTGCAGCAAGACTAACATGGTCATGGTCTTTGGAGAGATCACCACCAAGGCCAATGTGG  
ACTATGAAAAGATTGTTCTGTGACACATGCCGAAACATTGGATTGTTTTCTGACGATGTCGGTCTTGATGCTGAC  
AACTGCAAGGTCCTGGTTAACATTGAGCAGCAGAGCCCAGATATTGCTCAGGGTGTTACGGCCACTTCACAA  
AGCGCCCTGAGGAGATTGGCGCTGGTGACCAAGGGCACATGTTTGGCTATGCCACTGATGAAACCCCTGAAT  
TGATGCCTCTTAGCCATGTCCTCGCCACCAAAATTGGGTGCTCGCCTCACTGAAGTTAGAAAGAATGGCACCTG  
CCCCTGGTTGAGACCTGATGGCAAGACCCAAGTCACTGTTGAATACTACAACGACAATGGCGCCATGGTACCC  
GTCCGTGTCCACACAGTTCTGATCTCCACCCAACACGACGAAACCGTCACCAATGACGAAATCGCCACAGACC  
TCAAAGAGCATGTCATCAAGCCAGTCATCCCCGAGAAGTACCTCGACGAGAAGACCATCTTCCACCTTAACCC  
TTCAGGCCGTTTTCGTCATTGGTGGCCCCCATGGTGATGCAGGTCTTACCGGACGCAAGATCATCATCGACACC  
TACGGTGGTTGGGGAGCTCACGGTGACAAAGTGGGATCCGA

>trans\_c\_2680 NM\_118430|Arabidopsis thaliana UDP-galactose transporter-related (UTR2) mRNA,  
complete cds

TATATTAGGCGTTGTTATGATATGTGGTGCTCTTGTCATGGATGCCTTTCTCGGGAAGTTGCAGGAAGCCATTT  
TTACTATGAATCCTGATACTACACAGACCGAAATGTTATTTTGTCTAACCGTAGTTGGCCTCCCTTTCTTAGTAG  
TACCGATGGTGTTAACCGGAGAGCTGTTTCGAGCCTGGACTTCCTGTGCTGAACACCCATATGTCTACGGAGT  
CTTGGTGCTTGAAGCCATGGCAACATTTGTTGGTCAAGCGTCTGTTCTATCCCTCATTGCCATTTTCGGTGCTGC  
CACAACCGCAATGATAACAAGTGAAGAAAAGCAGTCACTCTTCTACTTTTCTACTTTGATATTTACCAAGCCAA  
TGACAGAACAACATGGAAGTGGGCTGCTTCTTATAACAATGGGAATTGTTCTGAAGATGTTGCCTGAGAACAA  
ATTGCCTTCAAGAGCAGCAAAATCATCACATAGAGTAGATGAAAACCGTTAGATAAGGGAAAAGAAGAAGA  
TGAAGAGAATAGGCCTTTGGTTTAAATGGAGAGTTCATGGAGTGTGCCTATCAATAAAGAGTTTTTTTAGTAGG  
GTTTCCTTTTTTTCTAAAAAAAATAATATATATATTTTTTACTTAGATTTCCATATGCGTTTATTTATTCTCTTTTA  
ATTTACAAAGTTGTTACTAAAAATGATGTAAAGATAGAGAAAAGAGAGAACATTTATACCCACAAGCTTATTTT  
TCACTTCTTGTTACTCAAATTCATTTTTGAAAAATTGGAAGTACAAAATGATTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2681 NM\_001049406|Oryza sativa Japonica Group Os01g0314300 (Os01g0314300)  
mRNA, complete cds

ACGAAGTTGCTGGTTCGGATTCTGAAGATTTACACAACCGGAGTGTTGCGGCGGAAGTTGGCACGGGCGACTA  
TTGATCTCTAAGCAGGGCCGGTGGAGCAGGAGGTAGACGGCGGCAGAGTTGTAAACAGAGGTTGACAGATT  
TGAAGGAAGCATATATTTTATAAATTAAGGTAACAACGTTTACAAGGATTCTCCTCAAATAACTCTGCGGCATC  
ATGTTCAAAAAGTTTTCTACTGAAGATGTGTCTGCTCAGAACCAAGTCAAGGCATCGGTACAACGAAAAATTC  
GGCAAAGTATAGCGGAAGAATACCCAGGACTAGAGCCAGTTTTGGATGATTTGCTTCTAAAAAAGCTCCTCT  
GATTGTAACATAAGTGTCAAACCATCTCAATCTGGTTGTTGTGAACAATGTGCCACTCTTTTCAATATCCGGG  
ATGGGCCGTACATGCCTACACTAAGGTTGCTTCATCAATATCCCAACATTATGAGAAAAATTACAAGTCGACAG  
AGGTGCAATAAAGTTTGTCTTGCTGGTGCTAACATAATGTGTCTGGTCTTACATCCCCTGGGGGTGTCTTGG  
ATGATGAAGTAGAAGCTGAAACACCTGTGGCAATAATGGCGGAAGGGAAGCAACATGCTCTTGCTATTGGCT  
TCACAAAGATGTCAGCGAAGGAAATAAGGGCGACAAACAAAGGGATCGGAGTGGACAACATGCATTACCTT  
AACGATGGTCTTTGGAAGATGGAACGACTTGATTGAGGATGATATTCAAAGAAACAACATTAAGGGGACTG

GGGTGGGGGGACACAACCTTAGACCCTAACTTAGAGAACAACTTTGTTTAATTATCTATACTTTTTGAGCTTC  
TCTGTTTTGTTGTGTGGACAGACATGAACAGAAAGAGGGGTACAAG

>trans\_c\_2682 NM\_001069167|Oryza sativa Japonica Group Os09g0133700 (Os09g0133700)  
mRNA, complete cds

ATCAAATTTATTTATTTTCTCCTAATCGTAATTGTTCTTCAAATTTGTGAAGAAAAAAAAATCGTAATGGTTGAA  
TTGTAGGATCATCCAGTGGACAATCAACAGCAAAAAATTCGGCTGCTTTCTCTGTCGTTTACCGTCAATCTTCG  
TCTTCTCTCTCAATTTCCGAGCATTCTGCACAACGAAGGATAGTATCGGTTTCGATTTTGAAGCGGTTTGAGT  
GTAATTCAGAGGAGACACTAAAGGCAAAGGATCACCGTTCTCGTCCCGGATTCTGTTTCTGTTCTTTCTAGA  
TGACGAAGAAACATAGGAATGGGGAAATCTCCGAATTCGAGCGGGAATTATCCGGCGGAACTGGCGGAGGA  
AGAGCTGTTGGAGATGTAATTCTTGAATTGATGGAGGAACGACCTCCACCGTCTGTGTTTGTGTTCTTTTCT  
CCATCCTCACTCTCTTCATCTTCTGATTCTCCTCTCTTCTTGCCCGAGTCGAAGCCGGCTGCTCCAACCATAAC  
AGCGTCGGCGAACTGCTGCGAGGGAAACGTTGGAGCAAGTAATGGCTGAGGCTCTTTCAAAATCAGGTTTCG  
GATCTGTCTGCAGTTCGAGCTATTTGTTTATCTGTTTCTGGTGTAAACCATCCAACGGATCAGCAAAGGATTTT  
GAATTGGTTCAGAGATAAATTTCTAGCCATGTCAAATTTATGTTTCGAAATGATGCTGCGGCTGCTCTGGCAA  
GTGGCACCATGGGAAAGCTTAGTGTTGTGTTCTAATTGCTGGCACTGGGAGCATTGCTTATGGATTTACGGA  
TGATGGAAGAGAAGCTCGAGCAGCTGGTGCAGGACCAATCTGGGTGACTGGGGAAGTGGGTATGGCATAT  
CAGCGCAGGCTTTAACTGCAATTATAAGAGCGCATG

>trans\_c\_2683 XM\_002880729|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata root-specific kinase 1 (ARSK1),  
mRNA

AAGTGAAAAAGAAAACACCTCACAAAAGAAAAAAAGGAAAATCCACTTCCAAATCCCATTTTTCTAGATGC  
AATTATGGGTATGAAGAGGAAGATGACGTGGAATCGATGATCATTCCGAGCTGTACACGGCCGTGCACCG  
CGGTTTATCGGAATCAGAGGACGACGAGCGACGGCGACTTTCAAAAAAGGTTTCATCGCAGCGGCTGTCGCT  
GTCGGACGCCAGTAATCCGAGTTCGCCGTTGTGCATCGACGACTTGTGCAATTCCTTGTGGGACCGAAGCTT  
CATATTTTTTCATTTGCGGAACTTCGAACAATCACTCACAATTTGCTTCTCCAATTTGCTCGGTGAAGGTGGG  
TTCGGTCCGGTTTATAAAGGGTTCGTGACGATAAAATTAACCGGGTTTGGAAGCTCAGCCGGTCCGCCGTTA  
AATTGCTCGACCTCGATGGATCTCAAGGACATAAAGAATGGCTGGCAGAGATCATAATTTGGGGCAAATGA  
GGCATCAAAATTTGGTGAAGTAATCGGTTATTGTTGGGAAAAAGAATACAGACTTTTGGTTTATGAATACAT  
GGCCAGAGGCAGTCTAGAAAATCAGCTATTTAGAAAGTACTCAGCAGCTTGCCTTGGTCAACGAGGATGAA  
GATTGCTTTAGAAGCAGCCAAAGGCCTTCAATTTCTTACGAAGCTGACCCACCAGTTATATTTAGAGATTTC  
AAACCTCTAATATTCTTGGATTCTGATTATACAACAAAATCTCGGATCTTGGATTGGCCAAAGATGGCGGT  
GATTGTGAAGATCAGCCAGACATGTCTTGATTATGGGCACACAAGCCTATGCTGCTCCCGAGTACGTCAAAT  
ATGGCCATTTGACGACGATGAGTGACGTGTACAGCTACGGCGT

>trans\_c\_2684 AY054643|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g70480; F24J13.5) mRNA,  
complete cds

ATTTGGTCCTCCTTGTTCTTCTACAATTCTCTCCACCGGCAACCACAAGCATAAGATGCAGTCAGCGTCGCTC  
AGATTTTCGAGGAATGCGACGGTAGAGATTCGGGCTCAGCTGCGATGGTGAATGAATGTCCAATTCCTTATA  
CCTATTAAAGAGTGAATTTATTGTTTTCTTATTGTTTTCTTATTGTTTTCTCAACCCTTCTTTGTGCATAATCAG  
AGACACGACGGAGTCGTCTTCGTCTGGACTTTTGTTCTCCCGTTTTACATCGTCGACTCTGCGACAGCCACT  
TTTAGCTGACTCAGATGTGTAGCATATTCTGGCCAGTTTTACTTCTTAGCTTACCTGAATCTCAACCTGCTGTGT  
CTTTTATCTGAAATTTATAATCAAAATTTCAACCCCAAACTCCTGAAAGTCTGGGAATTTCAAAATTCATGTC  
ATAATTGGGAACTTTGTCTAGTTTGCTGATCGGCATGTATTTATGAAGTATATTTGACGTTGAAAAAATCCA

GAGGGGGAGTGAAGGAAACCAGATTGATCTGAAATCAAATGTGCTCCAGGATCTTACTGGAGAGCTAGTGAT  
GACGAGAACAAGTATAGAAGTTTCCAAGAATGAGCGCAATGATGTTCTGGAGGCATTAGATCCTGCAATTTCT  
AATTTTCTTGCTCAGCTTTCTCAGAACTTCAAAAGTCTCTCAAGCTTAAGAAATTGGCTAATGACGGTGAGAA  
GTTAACGTCAATGACAACGAGCCCTTTCACAAATGGGGAAAAGAAGGGATCTTCTACATCCTGGGAGCTTGAT  
GTGGAGAAGCAACTACAGGCATGGAGAGAGAACCCTTCATGGACTGATAAACCTCACAAATAAAGGTCACAA  
TGACAACCACATATCAAGATAGAAGGGCATGC

>trans\_c\_2685 NM\_001065986|Oryza sativa Japonica Group Os07g0412400 (Os07g0412400)  
mRNA, complete cds

ACTCTCTGTCTATTCTTTTCTTTCTCCCCACAACCAAAGATTTACTCTCACCTCACTTTCAATCCAATCTCCTCTT  
TCATCTTCTCCCATCTTTTGAATCTCACAATCAGGAGGCCCAAAATTTGCAATGGCTCAAGATCGTAAGAGGC  
AGAGGCCGAACATACTGATCACCAGAACTCCGGGAACTGGCAAGACAACATTCATCTGCTTTAGCAGACG  
CCGCTCAACTCCGTCATGTCTCCATCGGCGATCTTGTGAAGGAGAAGAATTTGCATGATGGCTGGGACGACGA  
ACTTCAATGCTATGTTATCAACGAAGATTTGGTATGCGATGAGTTGGAGGATTTGATGGAAGAAGGTGGAGT  
CATTGTGGACTATCACGGTTGTGATTTTTTTCCCGAGCGGTGGTTTGATCGCGTTGTCGTTCTCCAACTGAGA  
ACTCCATTTTGTATGACCGATTGACGAAGAGGGGATACGAGGGAGCTAAGCTTTGCAACAATATTGAATGTG  
AAATCTTTTCAAGATATTACTTGAAGAGGCCAAAGAAAATTATGAAGAGAACATAGTGGTGGCTCTAAGGAGTG  
ACACTGTACAAGATGTAGCTTCAAATGTTGAAACCTTGGCCAATTGGGTCAACAATTGGCAACCTGTAAGCTA  
AAAACAGATAAAGAAAACAAAGAAGAAGAGATTACTTTGGAGTGTTTCATCTGTTTTCTTGATTCTAATTTTAT  
GTAAAGTAAAAGAAAGTAGGCTTTGCTGCTTGTGATGCAATTGGTTTTCTAGCCTTATCTTTGTAGTTGTATAT  
CTCTCGATTCTACATTGTTGGATTATTAGAAAGTTGGGCCTTTTTTTTTTAATCAGGTTTTATCTACTTTGTACCA  
ATGTTTATCATTGAAACCTAAATGGATATTGTTGAA

>trans\_c\_2686 U57389|Phaseolus vulgaris bZIP transcriptional repressor ROM1 mRNA, complete  
cds

ACATCATTCTCTCAAAGCTTCTTGCGCCATGAAAGCAGGTTGGTCGTAGAAATCATCAGGACACAGGACTGC  
TACTTGAAAATTGTTGAATTATAGTGGTTTGGTTTCAGCTTCGGTTGATGGGGACAGGGGAAGAGGGGCACGC  
CTTCTAAACTTCCAAACCTCCCTCTTCATCCCAGGAAATAGCTCCAACACCTTCATATCCTGATTGGTCAAGCT  
CAGTGCAGGCTTATTATGGTGTGGTGCTACTCCGCTCCCTTCTTTGCATCTACTGTTGCTTCTCCAACCTCCCC  
ACCTTACCTCTGGGGAGGTCAGCATCCTTTGATGTCACCTTATGGGACTCCACTACCTTATCCAGCTATATATC  
CTCCTGGGGGAGTTTATGCCATCCCAATATTACTGTGACTCCTGGCTCTGTACCAATCAATGCTGAATATGAA  
GGGAAATCCCCTGATGGAAAGGAAAGGGCCTCAAAAAAATCAAAGGGCATGTCAGGAAATACTGCTTCAGGT  
GGTGGTAGGACTGGGGAGAGTGGAAGGTGGCTTCAAGTTCTGGAAATGATGGTGTCTCTCAAAGTGCTGA  
AAGTGGTACCGAGGGCTCATCAGAAGGCAGTGATGAGAATGCTAACCAACAGGAAATTGCTGCAATAAGA  
AAGGAAGCTTCAACCAGATGCTGGCAGATGGAGCCAATGCACAAAACAACACAGGTGGACCAAATGCCAAAT  
CTTCAGTGACTGGGAAACCCATCGCCAACATTCTGGAATAATCTGAACATGGGAATGGATTTGTGGAAAAA  
CACCAATGCAGCTTCTGGGGCTGGAAAAGTGAGAGGAAATGCTGTCTCATCAGCTATTGTTTCTGTACCAATG  
GTTGGTCGTGATGGTATGATGCCTGAACAATGGGTTCAAGACG

>trans\_c\_2687 AY070768|Arabidopsis thaliana At1g56200/F14G9\_26 mRNA, complete cds

ACATTACCCTTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGCTCTATCACAAAAGAGTCGTCGCCAGGAGCTTCAC  
CGCCATATCTCTCTCCATAGCGAGACCTTCCGGAATCTCTCCTCTTTTCTCTTAAGAAAGCTTTCCAGCATTAC  
CCTTTTGCGCTACTTTGTAGAGACGAAGCGCGTTTCATCTCGGCTTTCTCGTATCTCAAAGGTTATCATCTACC  
CTTGTAGATGGAGATGCTTACTACAAATTCTGCTGTGATGCTACCTCTTCTACCCCCAGTGGGTGAGCATTGGG

>trans\_c\_2688 NM\_179623|Arabidopsis thaliana VSR-2; calcium ion binding (VSR-2) mRNA, complete cds

>trans\_c\_2689 BT009654|Arabidopsis thaliana At4g09620 mRNA, complete cds

>trans\_c\_2690 XM\_002871551|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata translocon-associated protein beta family protein, mRNA



ACTGTTCCACATTTTTGCGTACCTAATTCATCCGACGCCTCCTTCTCCAACTCCCATTCCGATCATCTCTCTCGC  
CCTAATTCCGACGATTTTCATGGCCCATCCCTTTCTACCTCCTCTGATCCGTCTCCTTTTCGCTTTTCTCTCCTCTC  
CTCGACCATCGCAACCTCCGATGTTCCATTTCATTGTCGCCCACAAGAAGGCTTCCCTCACTCGCCTCAAATCCG  
GCGCCGAACGCGTCTCTGTCTCAATCGACATTTACAATCAGGGATCTTCGACCGCATATGATGTAAGTCTGAAT  
GATGCAAGCTGGCCAGGAGATATGTTTGATATTGTGAGTGGTGAGACCTCCAACCTCGTGGAAGAACTTGAT  
GCTGGTGGCCATGTATCTCATTTCATTGAATTGGAAGCAAAATCGAAAGGAATGTTTCATGGTTCACCTGCTGT  
TGTCACATTCCGTGTCCCTACAAAGTCTGCTTTACAGGAGGCCTTATCAACCCCAATTCTACCTTTGGATGTCCT  
CGCTGACAGGCCACCAGAGAAGAAGTTTGAGTGGGTTAAGAGACTGCTCACAAAGTACGGTTCTCTGATCTC  
AGTGATCTCCATCATCGTTCTCTTCATCTATCTTGTGGCTAGCCCATCAAATCTGCTGCAAAAGGAAGCAAGA  
AGAAGCGTTAATTGAAGAATGGGAAGAAGAAAAATAGGTATAACTGTGTTTTACCCAAAATTGAGAGAGGA  
TGATATATTTGGCTGATGATAATATTTTGTGGGTTAGGAAAGGTACAGAACTTTTTGAGTTGATAGATTTTC  
TTTGACCCCTAATGAAGTAGAGCCGGAGGAAACAGAGTTTAATTATAGACATCCACGAGAATCAGTTNAAAG  
TTCAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2691 NM\_001063520|Oryza sativa Japonica Group Os06g0182500 (Os06g0182500)  
mRNA, complete cds

CTCAGTCATTTCTCTCTCTTTCTCTCCTCTTTTCACTTGACTGAAATCACCTTCTTTTAAACATCATCTCTTCT  
TCTTGGGTTCTCAATCTTCATTTCAAGCAAACAAGTTTATCAGAACAATGAAGGTGTTGAAATATTGAGAGTGT  
TAAGACAGCAATTAAGGCACTAAACATAATAGATTGTGAAGTGATATAGGTTGATTTTCATCCGTACACTATGG  
AGTGGACTAGCAATATTGGAAGTACCATAAGAAATAATCACAGCAGAAATGGATATGAGAACTTGTCACCTTCT  
GCACCTGTTTCAACATTTAAATGGTGGCATATATGATCAAGAGGAAGTTGATTATGCTAAGGCAATATCACTCT  
CAGAAATGGAAGTTGTAAAGCGGGAAGCATTGATCATTGAGAAACAGAAGATGAAAGCCATCACATCCCAAA  
TTGAAGAAGATGAGGAGCTCGCCAATGCAATGCAACTGAGCTTAGTCCTGGAGTCTTCTTTCAAATGACAG  
TGCACATGCTTCTTCTCTCGACCTTTCCTGGCCTCTGAATCCAAGATACTCTGTGCTGGATGCAACGCCGAGA  
TAAGCATAACATGAACATGTTTTCGAAAATAATGGTATTGTTGGCATATAGAATGTCTCATATGTCATACTTGC  
AAACGACTAATCAAAGATGATGAGTTATGCATGTCTGAAAATCGACCTTATCACACATCTTGTTCAAGGAATAT  
GAGGCATTCTAAATGCTATGTATGCAACAACCTTATCCCACATAGTAATGGGGGTGGTTGAATTTGGAGAGCA  
TCCTTTTTGGGCACAAAATATTGCCCTTCCCATGAACTGATGGAACCTCCAATTGTGTTAGTTGTGAAAGAT  
TACAGCCAAAAGGAATCAACTACATTCTACTC

>trans\_c\_2692 BT004774|Arabidopsis thaliana At4g31130 gene, complete cds

CCTTCTCCTTCAGTCTTCACCTGAAATCAAGACCGGGAGAGTGGGAACGGGACCGAAATCCGATTTTTCTTTT  
CGTTCTCCTCTTTCTTCTTTTCATTTCTTCAGTTCTTCAGGTGGTGACATTTATCTGCAGAACAATGGCCGTGTCT  
GTCAAGCTGATGTCTTACTGTGCGCAGCTTTGGGTGTAACGTCTTTATATTTGGAGTCATTGCTGAGAACAA  
GAAGCCTGCATCTGGAATCCCATCCCGGGCAAGGGCATCGTTATCTGTCAGTATCCAGGCGACCCAACCGTG  
GTCCTTGGATATCTTTCCGTTGCATTCTTCTTGCTTCTTCAGTTGCAGGATACCTGTCTTTGTTCTATCCTTACC  
AAGGGAAATCCGTTCTCGAGGTGCCATGTTAAGAGCAGCAGTTTCTCCGCTTCTTCAACATTGCCTTGTTT  
ACAACCTGGACTTGCTATAACTTTGCTCGTGTGGCCAACAGTCACCGAGCAACTTCACTTGTACGCAACGTCCA  
TCACAACACCGAGACAGCTTGCCCAACCGCCAAGACCGGTCTTCTAGGGGGTGGTGCAATTTCTATCTTGTGAT  
CTTCCCTCTTCTGGCTGGTTGCTCTGATGTTGGCTGGAAATGCTCGTGAGGACTACTTTGATGAAATAGCGGA  
AAAAGGAACCAATTCTGAATCTCTTAAAGCAGCGCATGAAAAGCTCAATGTTTAATGGAAAGAATAATTCAA  
TTTCAATTTACTTTGGATTTTAACTTGTTAAATTAGAGGATTTTTATTTGTGAATATAATATGATATTCATATTCC  
TGCTTTTGTGGAGTACTAAATCTCCACTAAACCAATTAATTATCAAATTAATAACATATTAATACTGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2693 XM\_002300288|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE901), mRNA

CTATTTTGAAAGCACAAACAGAAGACACTTCTTGATCTTGGCGATAAAGTTGATCAACTGAAGATTCAACAAGA  
AAAGGAGAGATTAGAAAGGAGGCAACGTGAAGAGAGAGAACGTATAGAAGCACAAATAAAGGCTGCTGAC  
ATGGCCTTGCGATTGAAAGCAGAGGCTGAGAAGAAACAGCAGCGAGAAAGAGACAGAGAAGCTGCCCCGAT  
TGCTCTTCAGAAGATCGAAAGAACCGTTGATCTGGACCAAAATCTTGAGATTCTAAAGGAGCTGGAAAGGCTC  
TGTGGAGGATTCTTATTCATCCAACATCACCGTGCAATGGTGACGAGGTCATTAGACGACTGCCAGTTGGAAA  
ATCCATTAGAACGACTTGGCTTGTATCAAGATGAATTCCTGGATGATGATGAAGAAACCATCTACAGTGT  
AAACGGGAAAGAGGGGGAAATTTTTCCAGAAGTTGAGTGAGAGGGGATTCCGCATATTTGTTTTGTTTTATT  
GAGCTCCGAGTATTTAGACTGCTTGGCCCAACTGGGTGGGAAAACAGTATATTTGTAAATGGTATTCATATTT  
GATTGGGTTTAGGATTTAGGACTTTCGGATACTATATTATAGCTGTTAGGGTAGAGGTAATGTATAGCCAA  
AGTTCTATGGATGGGAAACAGAAAAAGGAAAAAAAATGAATAAAAAAATGAAAAGTGCAACTTGTAGTCG  
GATGGGATTTGACATTTTATAGGACGCTAATTTTGGTCTGCCTTGTGGTGGTTGTATTGTGCTTAGTCTTTTTT  
TATTCATGCATAGTCATATAATTTACCATTCAGAGTGTAGACAAACAAGGATTACAACACAGTTATAACAATA  
GAAGGAACATTGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2694 EF100453|Nelumbo nucifera small molecular heat shock protein 17.5 mRNA, complete cds

CTTCCAACCTCTTCTCAACACTTCCAGAAAATTCCTCCTCCCATTCATTCTTATTCACTCTCTCATTCAACAACATCT  
ATAAAATCCAACCAACCTTTTCGGCCATTTGCAACAACAAAATCAGCTCTTCCGTTTACGAGAACGACTTCCATA  
ACCAAAATTTCTTTTCTACAAGCATTCTAATTCGTTAAAAGACTCCAAAATTTCTCCACCTATCAAGAGAAAA  
ATGGATTTTCAGAATCATGGGCCTAGAGTCACCAATCTTCTCCACCCTCCAGCACGTGATGGACCTCGCCGACG  
AGGCCGATAAGTCTTTCAGCACACCTACCAGGGCTTACGTTTCGGGACGCCAAGGCTATGGCAGCAACTCCAGC  
CGACGTCAAGGAGTATCCGAATTCCTATGTTTTCGTCGTTGACATGCCGGGGTTAAAGGTCGGTGACATCCAG  
GTTTCAGGTTGAGGATGACAATGTGCTACTGATAAGTGGGGAGAGGAAGAGGGAGGAGGAGAAAGAAGCTA  
AGTATGTGAGGATGGAGAGGAGAGTTGGCAAGTTAATGAGGAAATTTGTGTTGCCGGAAAATGCCAACATT  
GATGCCATATCGGCGGTTTGTTCAGGATGGTGTGCTCACTGTGACTGTGCAAAAGTTGCCACCACCTCAGCCTA  
AGAAGCCCAAGATCGTTGAGGTCAAGGTCAATTGATGGGGCTAGGACTATCGGGAATTCCTACTTCCTATCTT  
TGGATCACGAGTTTTTCAGAATTTGGCACATGTTGTTTACTTTTTCTTTCTTTTCTTTTTTGGTGGCGTTTTCT  
ATTGTAATGACTGTTATGTGGAGGTTAAGTGTGTAATCTGTGTTGATGGGTTATGGTAATGAATATAATTAAG  
GGTTTATCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2695 AF158253|Nicotiana tabacum patatin-like protein 3 (PAT3) mRNA, complete cds

AACTCAAATTGCAAAAGCAACATATTCTCTTTTTCTCTCCTTCCTCTCATAGACCCATCCTTTGATTTACCAATA  
AACATAATGGCAGCTAAGTATGAGAAGGGAGAGAAGATAACAATTTTAAGTATAGATGGTGGTGGCATTAGA  
GGCATCATTTCCCGAACTATTCTAGCTTTTCTTGAGTCTAAACTTCAGGAATTGGATGGACCAGATGCAAGAAT  
AGCAGATTACTTTGATGTAATTGCTGGTACAAGCACAGGTGGTCTGGTTACTTCCATGCTTACAGCTCCTAACG  
AGAATAATCGACCTTTGTACGCTGCGAAAGATTTAACCCGCTTCTACATCGAACATGGACCGAAAATCTTCCCT  
CAAAGAAATCATTTCTTAAGTTCAATGGTGAATATGTTTGGAAAAGTTATGGGCCCAAAGTACGATGGGAAAT  
ACTTGAGATCATTGATAAACAGATTGCTTGGAGATATAACACTTAAGCAAACACTAACGGAAGTCATTATTCCT  
GCTTTCGACATTAAGCTTCTTCAACCTGTGATTTTCAGCACACTCGATGCTAAATGGGATGCGTTAAGAATCC  
AAAACCTGGCTGATGTTTGTATCAGTACCTCCGCCGCTCCCACTTCTTACCTGGTCATGAATTTCAAACCTAAGG  
ACTCTAAGGGAAATACTCGTAACTTCGATATGGTTGATGGTGGAGTCGCTGCAAATAATCCAACATTGGCTGC  
ATTGACTCATGTGACAAAAGAGATGAGCATCTTGAGAAACAGAAGTGAACTTTTGAAAATAAAACCCATGGA

AGCAAAAAGGATGTTGATCCTTTCTTTAGGAACTGGTGTGGCTAAAAATGATGAGAAGTATAGTGCAGCTATA  
GCTTCCAAATGGGGCATGCTTTGGTTGGATCTATC

>trans\_c\_2696 Novel Gene

GAACGAATCATTTTTAGTTGTGGATAAAAGAAGTAGAGAAATGGATGGAAGACGGAACAAACCCGGCGGAG  
GCGGAGTACAATGAAAAGCATGAGGCCGATCAGGACAATAACACTTGAAAAAATGAGTCGAGTCATCAAATC  
CACAGTACCCACCACTCTTGTTACAAAATCTACACTCTCCGGCCGTCCATTCCACTACCAACCCATTTCTCTCCG  
CCTCATCCCGGCTTTCTCTCCGCCGCAAATGCCGTCTGTCCGTCCCCGAGGTGGAACCGCTCGTTTGCCAAA  
ACAGAGAGGCTTCGAATCAGAGCACTACACTCAGCCGCTGATGAAACAGCGTGGTTCGGAGAGGCGGAGGGA  
GTGTTCTTCGTATGAAATACTGCGGACGGAAAAATCCCTACCGGCGAGATGAAGGATCGGGTGCCGCTTTG  
ATGACATTTTCACTGAAATCCCGGGTACCCACAAAACGACCGTTGGCGATTTGTGGATGTAAATGGGTATTG  
AATTGTTTGATTGTCGCCACAGGTCATCGGCTGGCGGCAGGCCCTCGAAGTGGAAGTCGACAGCCACGGAGGG  
GGTTAGGAGGACGAGAATGAAAATGAAGATGGGGAGATTTGACAACACCATCTGGGTTTAGAAGATAAGAG  
AAGAAACAAGTTTGAGGGAAAAACAGAGAGAGTATTTATGGATTAAAGTGGGGATTTGATTGAAGTTTGGGG  
GATTTCTGTGTGTTTTGGGGGTGTGAATCGTGGACGGAGTTGAAGAACTTTTGGGTAACGATGTGTCTAAGTG  
AATTGAATATCAGAGTATGAGTGCCTCAAATCATAGACCGTTGAATTATTATATAGTTTCATCAAATCCACATC  
CTACACATTTTCATTCTTTAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2697 XM\_002891428|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein,  
mRNA

TTCAATGTGACGCTCCTTGCAGCAGTTGTGGCAAGGGAAGAAGCCCATTATACAAGCCAAGAAGAGAGAAAAG  
TTGTATCTTTCAAGGACTCTTTGTGCATGGAAGTTCAAAGAAATTATGATGGCGATCAGTGTGCAGCCTGCCAT  
CAGTGTAACACTACGAGTTCAATATGCCGACCAGAGCTCCTCTCTGGGGGTTCTTGTTAAAGATGAGTTTACTTT  
AAGGTTTTCCAATGGATCATTGGCTAAGTTAAATGCCATTTTCGGGTGTGCTTATGATCAGCAAGGCTTACTAT  
TGAACACTTTGTGCAAGACTGATGGCATTCTAGGACTAAGCAGGGCTAAAGTTAGCTTACCTTCCCAGTTGGC  
CAGTCAAGGAATCATAAACAATGTGGTAGGTCACTGTCTTACCGGTGATCCAGCAGGTGGTGGATATTTGTTT  
TTAGGTGATGATTTTGTGCCACAGTGGGGGATGGCATGGGTTGCCATGCTTGACAGCCCTTCCATGTGAGTAT  
GAATTACACCTGTTATGGGTGTAAATTTGTCTTACATAAGAAGATTCTTCTCCAAGTAGTTTTTAAAGATGGA  
ATGAAAGTAGAAGAGCAGAACTATAATCGAATTTGGATCTCAACATAGATGCTCATAAGCTTCCTAATTTTA  
GTAGCATAAATATATCTATACTTACCTTTCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAACGAAA  
AAGAAGCAAATGGAATACTAATCATTTTTTGGTTGTCTTGTATCAAATTAAGTCTGCAGTATACATTTTTTAACG  
AGAGACTGAGCTTTGAAAACAAACGAAAGAATATAAAGAGCATTGAAAAAGATTCTCTACTAAAAGGAACC  
CGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2698 NM\_102918|Arabidopsis thaliana NFD3 (NUCLEAR FUSION DEFECTIVE 3); structural  
constituent of ribosome (NFD3) mRNA, complete cds

ATAGGGTTTTCTTTTCCCCACTTCTTCTTATTCCCAATAATCAACCGCCTGCGCCCCTCCACGACGATGCCGAA  
ACTTTCCCTCTCTCACCTCTCCCCTCTCTCCGCTCATCCTCTCTCTCGTTCCCCTTCTTTTCTCCCTCTCGCT  
CTCCATTTACCAATTCATTGGCTCAGATGCTCCTTACGCTTCTCCTCCCCCTCCCTTACATCTCACTGGATCC  
CTTCAACCACACAACCACTTCTCAGGCTCTGTTGGTCGAGAGATTGTAGGACGTGGTTGGAAAGCCATGGGAG  
TTCAGGGTCTAGTTGGGGTTTGGCGCGTTCAACTGAAAGTGTCTCCGTTCTTATTCTATTAGCTCTAGATGT  
TATGGAGAGTACGACAACCGCCCTAATCCTCCAGATACAGGAAGGAATCTTAAGACTTTGAACCTTCGTTAGGG  
GAATTTTAGAGGAAGATGAAAAGGTTTTTTCGGATGTTCTCAGTACCTTAGGCCAACCAATATGGAACACAA  
TGCTGATATTGTTTATATAAAGCTGATGCGTAACAATGCATTTGTTACTGTTACGGATAACAAGGGAAATACG

AAGCTCAAGGCCTCTGCTGGTCGTCTTGAAGAACTGAAAGGAGGGGGGGCTAAACTGTCTCGTTATTCTGGT  
GATTCAATTGCAGAGTATGTTGATCGTGAATCTAGAAAATTGGGGCTAAAATCAGTTGTGATGAGGGTGAAA  
GGCTTTACCTTTTTTAAGAAGAAAAAGCAAGCCATCTTGAGTTGGAGAGATGGATTTACTGATTCTAGAAGTG  
ATCAAAATCCGATTGTTTACATTGAAGATACGACAAGACGTGCACACAATGGTTGCCGACTCCCAAAGAAACG  
CCGTGTGTAGATTTATGGTGCTAGATCTTGCAA

>trans\_c\_2699 DQ191642|Solanum tuberosum beta-alanine synthase-like protein mRNA, complete cds

ACTGCGAGAGCCAATTTGCAAACTCCTTCTCAAGCGAAGAAACCAACATGGTGACGCCAAGAAAAGCGGTT  
GCAGTTTCAGCCGTGCAATTTGCCTGTACGGACGATATCTCTACTAATGTTAACACAGCCGAAAGGCTGGTTA  
GATCAGCTCATGCAAAGGGTGCAAACATAATACTAATTCAGGAACTGTTTGAAGTTACTACTTTTGCCAGGC  
ACAAAGGGAGGATTTTATTCAACGAGCGAAGCCTTATAAAGGCCATCCTACAATTTTAGGATGCAACAATT  
GCAAAAGAGTTAGGTGTGGTAATTCCTGTTAGTTTCTTTGAGGAAGCTAATAATGCCATTATAACTCCATAGC  
CATAATTGATGCTGATGGGTGAGATCTTGACTTTACCGAAAGTCCCATATCCCGGATGGACCAGGCTACCAG  
GAGAAGTTCTACTTTAATCCTGGTGACACTGGGTTTAAAGTTTTCCAGACAAAGTTTGCAAAAATTGGAGTTGC  
AATTTGCTGGGATCAGTGGTTTCCCGAGGCAGCAAGAGCAATGGTTCTTCAAGGTGCGGAGATATTGTTTTAT  
CCAACAGCTATTGGTTCCGAACCTCAAGATCAAGGACTTGACTCTTGATCACTGGAAACGCGTAATGCAAG  
GGCACGCTGGTGCTAATGTGGTGCCGTTGGTGGCTTCAAACCGCATTGGAAGAGAGATTATCGAGACAGAAC  
ATGGAAAAAGCACGATCACGTTTTATGGGAACTCTTTATAGCAGGACCAACTGGAGAAATTGTTGCTGCTGC  
TAATGATAAAGATGAAGATGTTTTGGTAGCAAAGTTTGATCTGGATAAAATCAAGTCCAAGAGACATGCTTGG  
GGAGTATTTGCGGATCGCCGACCAAAGCTATACAAGGTGCTT

>trans\_c\_2700 AY105856|Zea mays PCO109734 mRNA sequence

TTATGAAAGCCTCTTTGATGGTTTTCTACTAGTTCTACTTGCTGGGGGCCCATCCCGGACTTTCATTAAGGAA  
GATGCAGAACTGATAGAGGAGGACTTTAAGTTTCTAACTGATCTCTTTTGGTCCAACGGTGATGGACTTCCTG  
CTGATTTGATTAGTAAACATGCAGGCAACGTTAAAAGAGTTCTCGATCTATTTCAATTTAGACTCCGAAAGTTTA  
ATTGAGCAGTTCAAATATGTGATGATGGAGTCACATAGCATACAAGCTAAATCGAGGCTTCCATTGCCTCCAA  
CTTCTGGTCTCTGGGAACCAACCGAGCCAAACACACTACTTCGAGTCTTATGCTATCGCAATGATGAGATAGC  
AGCAAAGTTTCTCAAGAAGACTTACAATTTGCCCAAAAACTATAAACTGACTTGTTGATGAACATACTGATTG  
CTGTAAATTCCACGCCTCATCCAACCATACAATGTACTGTACATAGTAGGCAGCTTTGTGCCAATTGTGGTGGA  
TAAATTACGAGTTTGTGCAGCAAAATTTATTGTCGGAGAAAACATTCTTGTGTGATACCGGCATGGAGAGTTG  
CAGTTGCTCTTGAACCTGAATTTTCAAGATGGTTATGTTGCATCAATCAGCTTCTGTCGCTCTCTTTATCTACA  
GTCACAATTCAAGTGATGCAGACATTTGTATTTGTCTGTCAATGCAGCCTTTTTTTTCTTACATAGTTAGGCACA  
AGGAAAACGTACAGATCATAACAGAGGCTTCCATTTACTGTCCGATTATGACAGTCTTCTTTAACATACAAAT  
ACCACACTGTAAGAAATCACAACTACAGGTGTAGGGAATCATTTTTCTTTTTTTTGGCAATAGTAATTTGATC  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2701 BT012589|Arabidopsis thaliana At5g59410 mRNA, complete cds

AGAACAGAAGAAACCAGCCGAGAGACGACGATAGATTCTTTCTTTGCAGTGATTTGACCGCTGATGCATCCTT  
CAATCCAAGTTTCTTCTTATTGATCCAACCGTTTTTCTCTATCTTCTCCCTGAAATACAGTGTTTCCATTCGG  
ACTGTAGCATTTTATCTGCACTTTTTTTCTTTCCGGAATCTAGATCTAAGCTTACTGTAGATTCTTTGGTTGTTT  
TTGTTGCTTTTCGCGAAGAGTGATTGATTGAATTATCCGGTATGAAAGAAGCAAACCGGTTAAGTTCAATCT  
TCATCAGCATCAAGATCATCAGAATGGTCATTTGGCTCCATTCAAGCTCGCTAAATTAATCGATCCAGAAGCCT  
CCTGGGACAAGGATCAACTGGGAGATGTTTTGCACTGGATTGACAAGCAGTGGCCGTTGTACTTGGACTGTT

GTGGGGTTCATACCTTTGGTTGGAGGCATTTGGTTTCTAATTTTCTTGGCGATATCAACCAGTGTTGTATATG  
GATACTATGCAATGATATTAAGAGTCGATGAAGAAGAATTTGGAGGTCATGGAGCTCTCCTTCAAGAGGGCCT  
TTTTGCTTCTATAACTCTCTTCTGCTTGGATTCTCGTATACAGTTTGGCACACTTTTGATTGGCGAAGAAT  
GATCTGACATCCTGAAAATTACTTGGTGAAGTTCCAACAATGAACCTGGTCATACTTGATGCCCTGCTTATTTA  
CAATTGCTTCTAATTGGTGGCACGGATTTTTTTTATCATTATCATGTGAACAAATTGATTAGAAGGGCAGG  
AAAACCTTTAAACTTCTGATATATGGTGATAGATTGATATTCGATCTCAAATTCATTGGTGACATTCTCCAAAG  
GGCACATAGAGATGGGCTATGGATGTT

>trans\_c\_2702 BT008775|Arabidopsis thaliana At4g24530 mRNA, complete cds

ATCTTCATCATTACAATCCCTTTCTGGCTTCTGGGTTTGGAGTTTCGCATTGATTTGCAAACCCATCTCCAAG  
ATCCATGGTTATGGGACTCAGTTACCATTCCAACAGAGTTGGAGCTTTGGCTGGTGTTCGTCCTGCTTTTCC  
CTGTTTTCTGCCGGGTTTGTAGCCCTTTTGGTCATGCTTCGCCTCCACATTCTCGGAATGGAACACTCCAA  
AGCCAGGCACCTGCGTCTGCTGAAAAGTGCTTTACAACGCCGAAGTTCAAACCCAGATCAGTCTGATTTATG  
GGCTCCTTAGCCGATGAAGGATGGAGGCCTTGTGTCGATTATCAAAAGCTTCTCTCTACCAGAGAAATCT  
GAAGGATATACCCAGGTGTTTCTAGATGGAGGGCTGAACCAGCAAAGAATGGGAATATGTGATGCAGTTGCT  
GTTGCTAAGATTCTAAATGCAACCCTTGATTTCCCACTTGAAGTTAATCCTGTCTGGAAAGATTCAAGTTCT  
TTCGTCGATATATTTGACGTGGATCACTTTATTAACGTATTGAAGGATGACATTTCTATAGTTCAAGAGCTGCC  
AGCTGAATTTTCTTGGAGCACTAGGGAATATTATGCTACAGCCATTCGGGCTACTAGAGTCAAACAGCGCCT  
GTTTCATGCCTCGGCAAAGTGGTATCTGGAAAATGTTTTACCTGTATTACAGAGCTACGGTATTGCTGCCATTGC  
ACCTTCTCACACCGTCTAGCTTTTGAGAACTGCCTGATGAGATACAAAGTTGCGCTGTAAGGTCAACTTTC  
AAGCATTAATTTTGTTCCTATATCCAAGAACTCGGAGACGCTCTCATCAATCGCTGCGGTATCCTTGGAGT  
AAGAAGGAACCAACGGAGGGTAACTACCTAAG

>trans\_c\_2703 Novel Gene

AATCTTAACCTAACCAACGGGTTAGTGTTTGGTCCCTCTCTGCTTTGCTCTTGCCCTGCCGCCAGCCTCTGACAT  
CGATTCCTTGGGCTTGACCTCCAACCTCAAGCCGATCGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCATCC  
ATGGCGGAAGCCCAGAGCGAACAACCTTTCTTAGCTGAGCAATATTCCTTGAAAGAAAAAGAGGAGAAG  
GTGGATATACCACTGCCCTCTGAAGTGAAAGAGGTGGAGAACGCTGAAAATGCTGCTCCTGCTGAAGTTGTT  
GTGAAGAACGATGAACACCTGTTGAAGCTGATGCTGATCAAAGCAGTGACAATCCCCCTGCTGAAGAATCTC  
CTGCTGTAGAGGACTCTGAACTGGTCCTGCTGCTGAGAACGACAGTGAGCTGCTGCTGAAGAAGAAAGCA  
GCGGAGCTGGAGAAGAGGAAAATTCTGGTGATCAAGAAAGCACTGACGAGCAACCTGAAATTAAGCTCGAA  
ACAGCACCACTAGATTTCCGTTTCCCACTACAAATCAAACCTAGGCATTGCTTCACCCGGTATATTGAATACCA  
TAGATGCACACAAGCAAAAGGGGAAGGTGCTCCAGAGTGCGAAAAGTTGCGGAAATATTATCGTTCTCTTTGT  
CCAAGTGAATGGGTAGAGAAATGGAACGAGCAGAGGGAGAATGGAACGTTCCAGGCCCCGCTGTAGGAGTA  
GAGAGTTGCCTGTTTCGATAATTCAGCAGCAGCCACATGCTGCCGTAAAATGGCAAATAAACTGAGTTCTCTCT  
TTCCAACAATTGAGTTATAATAATTATCGGCTGGTTTTTGGTATTTCAATCAAATCCATTTGCAACCAAAGTTT  
TGTTGATGCAACCACTTTTGTCTGTTTAAATACATGC

>trans\_c\_2704 NM\_001057337|Oryza sativa Japonica Group Os03g0655200 (Os03g0655200)  
mRNA, complete cds

ATCGCCCCATCGCCCCATCGCCCCATCAATTCGTTTCAGTCATATTTTCTTCGCTTCTTCTTTTCTCCCTTCAGAT  
CCTCGCACAGCAATTCTTTGTTCTGTTTTATTTCCCATATTCATCTTCAATTTTCTCTCATTGCTTGAACA  
ACCTACCAAATTCCTCTGTTTTTGTCTTAATTCCTCTTAACCATCTGCCATTCGTTTCTTCTTCAATTCGGATT  
TCATATTTGACGAAAACCCAAATCTTAGTTGCGATTCCGATGTCGGCTTTAGAAGGAGGTGGAGGAGGTACG

CTTTCGGAGATATACCAAAGTGCTAGGAGGCAGCTTTTGAGGACCAGAGATGGGCTTGAGAAGCTTGAGCGT  
CTTGAATACACGGCGGCTAGCGGTATGGATTCCCCGAGCTTTCCTTCTCGATCAAGAAGGATATTACTCAGAT  
CCAGTCTCTGTGTGTTGAGATGGATAGGTTATGGCGGTCTATTGCGGCCAAGTCTCAACGTGATTTGTGGAAA  
AGAAAGGTGGAACAAGTTGCGGAGGAGGCAGATTCTATGAAACAAAGTTTGACAAGTATTTTCTTAGAAAC  
CAAAAGAGGATGATGGAAGCAAAGGAGAGGGCAGAATTGCTTGGAAGAGCTAGTGGCGACTCTGCTCACAT  
TTTAAGAATTTTTGACGATGACGCACAAGCTATGAACTCGGTTGAAATTCATCACGGATGTTAGAGGAAGCT  
AGTGCAACCGGAGAAGCTATCCTTTTCAAATACTCTGAGCAGAGGGATCGCCTGAAGAGAGCACAAAGGAAG  
GCTCTAGATGTCCTTAACACAGTGGGGCTCTCCNACTCTGTACTGAACTCATTGAGAGACGGCACCGAGTTT  
GATATTGGATTAAATATGCAGGCATGATTTTAAC

>trans\_c\_2705 NM\_105878|Arabidopsis thaliana oxidoreductase family protein (AT1G72190)  
mRNA, complete cds

ACAATACTCACAAAGTCTACTGTTGTTCTTTGTTGACCATGGAAAGAACACATGACGATAGCAGCAAGGGTTT  
AATCCGTGTTCTCTTTTGTGGGTCTCATTTTCCCAGTTCTCATAATTATACAGTGAATACTTGCTCAACTATCCA  
ATTGTTCAAGTCGAAGTCATTCCATGTGAAGAAGTACCTAAAGATATTAGCAACTACCACATTTGTGTTACTAA  
AATGATGAAGTTCGATTTTGATTTAATCTCTCGAGCAAGTCAGATGAAGCTCATAGTGCAAGTTTGGTGTGGC  
CTTGATGGTGTGGACGTTGATGCTGCCACAAAAGTTGGAATAAAAGTTGCAAGGATACCAAGTGGAGTGACT  
GGAAATAGCAATGTCCTGTGCAGAAATGGCTATATACCTAATGTTAGGCCTTCCTCGCAAGCACAAAGAGATG  
CAAATTGCAGTTGATCATAAAAAGCTTGGAGAGCCAACTGGAGATACACTCCTTGGAACAAAGAGATTTCATCT  
TGGGCTTTGAAACATTGGTCTGGAATTGGCTAAGCGCTTGCGCCCGTTTGGTGTGAAGAATTATTGCCACAAA  
ACGCAGTTGGCCAGAAAATTCTAGCCAGTTGAATGGTGAAGTGAAGATCTTGTCGATCAGAAAGGTGCTCA  
CGAGGACATTAAAAAATTTGCGAGCATTGCAGACATTGTTGTTTGTGTTTGTGACTCAATAGCGAACTGTC  
GGTGTGTGAACAAGTCATTCTTATCTTCGATGAAAAAGGTTCACTTTTGGTAAATGTTGCTAGAGGTCGTCT  
TCTAGACTATCAGTCCACTCTACATTCCCTTGAGTCTGGTCACCTAGGAGGTTTGGGCATTGATGTTGCTTGAA  
CTGAGCCATTTGACCCTGATGACCCTATTTTGAAGTTC

>trans\_c\_2706 NM\_128565|Arabidopsis thaliana ubiquitin family protein (AT2G30100) mRNA,  
complete cds

AATAAAAAATAAATCTTCATCGTCTTAAAGGAAGAATCTCAGGACACCTCTCAGGCAGCCAGAAATGGAGGTGCG  
CAGCGACGGCGACTACATCTGATGGTAATGGAAAGTCTATCACTATCAACGTCAAGTTCACCGGAAAGTCAAT  
ACCAATTATTCTTCCCGCCGATTGACTGTGAAGGATCTGAAATCCCTTCTCAACCTTTAACCAATGTCCTACC  
TCGTGGCCAGAAGCTCATCTTCAAAGGGAAGGTTTTGGCGGACGAGATGACGTTGGCGGCGTCGGAGGTGG  
CTAATGGAGCGAAAATGATGCTCATGACTTCTCAGGGACTACACCAAGGGGATGGCCCTATCCTTCGAGAAG  
CGAGAACTCGTTCCAGAGAAAGGAGCATGCAAAATGCCAGTAAATTGGTTGATGAAAAACAGCGTCTATCTG  
TAGATAAAAGCCGTTATGAAAGATGGAAGGCCACTGGAGTGATAGCGTTGTCTGACTGCAATTTGAAAGTAA  
TTCCAATGAAGTGTGGTCTTGCGAAACTTCAGCCAGAGTACTTGATTTGAGCAACAACTCTATTAACCGTGTT  
CCTTCTCAAGTTGGCAGTCTAAGAAAAGTGCAGAAATTATTGCTGAATGTTAATGAGATATCTGATGAGTCTAT  
AAGTTGGGGATGGTTTTGCATTTTTGAAGCATCTAGCAGTTTTGTCTCTATCTCATAATCTGTTAACTACTTTAC  
CTTCTGCACTGTGGGAGTTTGACTTCACTAAAGCAACTCCATGTGAATAATAACAAATTGACGAGTCTCCAGA  
TGAAATAAAATTTTTGACCCGACTGGAAGTTTTGAAAGTCGGCCATAATAGGATAAGCATTGTCCCTTCACAAT  
TGGGGGATGTAGTTCTCTACAGAGGTGGATCTGTCATC

>trans\_c\_2707 XM\_002873467|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CID5/IPD1, mRNA

ATCTTCTTCGAGACTCGTCAATCTCAATTTCTTATTTATTGACCCTTTAACTTTCTCATCATTCCCTTCATTTGATCC  
TTCAACTCATTAGGGTTTTCTTTACTTCTCTGTTGAATTTCCCTTTTCAAGATCAAGATTTTGTCTCCGAGGGAAG  
GATTGGACAAGATAGAAATCGTTTCTCCATCTGGTGAAATGAAGCCACATGGATCGTCTTTGAATCCGTTTGC  
AACATCTTACATTCCACTCTCCCAGAGAGGGGCTAACAGAACTTTTATAGCGGAAAACACTTCGAGGGGAAAT  
ATTGGGGCTAACGTGCCAGGATACTCCGAACAATGTCTATATCCTCCATATAACAACAGCATTCCCTCGGTT  
AAATATGAATCATGGTAAAAAAGCATCCGTTGCAGCTTCTTCAGCTGTGAAGAATCACCTTTTCATGGATCAT  
TGTCACAACAGAGTAGTGATTTGTCAGAAATGGAGATTTTTGATCGAGAAGTTAACATGGATCTTGAATTGCT  
TCAAGTCAGTTTCCCTGGACTATCTGAACAATCCCTTACTGATGTGTATTTTGCAAATAAAGGTGATTTGGATG  
CTGCTATAGACATGCTGAGCCAGCTTGAGAACAACATCCACATGATGTTGAATACGACCCTGAAAGTCTCCC  
AGACACTTTGGACATTGGTGATATCTCCGAATCCGGGTTTGTAAACCGTTGACCAACCCTCTTTCAGAATGAAGA  
ATGTAGCCAATCAAGCAAGTACTTCATCCAGATTCTAAGAGTATTTGTTGGTTTTGAGAAGTGAAGTCTCTTT  
CCCCTTGTGGGTTTTCTTTGATTACTTTTTTTTTTACTATAAGTAAACATCTTCCCTGGGGATAAGGGGATCCTC  
TCTGGTTATAGGATTGTATAGGTGTTT

>trans\_c\_2708 Novel Gene

ACCCGAACAAATCCCCGAGTAGAAGTATCGAACAAATAAAGTTCCACAACCGACAACCGTACATCAAAACACA  
AGGCGCGAAATGGATCAGAGCGAGACCGAAATCCGAGAAGTCCAAGAAACCAACTCCAAATCGGAGTTGCA  
ACCTCTTCTTGAGACCCAGAATCCCAGTTTCAACTCCAAAACCTGTGAAGACGAAGGTTCCGGAGGTTGAGATC  
CATCTTTATCGTCAGGGCAAAGGTCCGATCGATGTGTTTAAATCAAGCCTCGGTGGTTGGGATCAAGATCAGC  
TTGAGGTCCGAGATATTCTGGACAAATACGGATTCAAGTCCGTATTCGCCTTCAAACCTGACTCCGGTCGTGG  
CGTCCCCATTGATTCAACCCTAGAAATGGCAGGTCTATACTGACTTACAGAGATGGAGCCGAAATTTTCATTG  
ACGGAGAGCCTAAGGATTCCCTGATCAAACCGGTAACCAGGATCATTTTCGGCGTGGAATTATAACCATTTT  
GATAACGTTTCTCTCTCGAGACTCACAAGGTGGATGAAGAACTTAATATCACTGGGAACCTCCCTCCTTGG  
ATTCTAGCTTGTGTCGTTATCGTTTTTACGCGCTCAAGGAAGAGAACTAGGGACTTACTTAAAAAGTACGGTTG  
GTAATTGTCTAGTCCTTCGTCTACTTTTGTTCCTTCAAAAAAAGAAAAAAATGTCATCCTCCAATAGAAAAT  
GGAAAGCCATTAATCAATACGTTGATTCTAGGTTCTCAATTCGAACCTCCAAAATAGGAGACAGAATATTGT  
ACCGTGGTGCTAGCACGAGGTCCATTGCTACCATAAATTCCTGTCTTAATTTGTTCTTCGATATGTGTAGATA  
AGCAGCCTGTGTTTGCTGACTGCAATTGTTTGAATTTG

>trans\_c\_2709 XM\_002887909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

ACTGGCTGCAGTTAAACCTCAAATTTCTGCATACTATAAAATTTAGATATAAGTCACCATTACTATTTGGCAGT  
GTTTGGGTCTCAAGTGCAAATCCCTCTCTGAGAGCTGTTTGTGCCTCGTTGTTACTACCAAGTGCAAAAAGTGC  
AGCAGCTTGCAAATAAGATGCAATATGCCAGACAGGTGATATAACTTGAGCCTGCATTGCATCATTTAGAGCT  
TCTTGTGGCATCTCACATGTGAGATATGACAACTACGACGTGCAACATTGTTGGGGAAAGCACTGCTCCAG  
CATCAATGAACTGAGTATAGGAATCAATTGCAGCTCTAAAATCCTTGTGTCTAAAAGCAAGATCACCATTCTTC  
TTTGAATCAATGTTTCTGCATCTGGTTGGTCCACATCTGGAAAGAAAGCTCGGTTGCTGAACCCTCATCGTC  
CTTGTAAGTTTATCTTTTCTAAAATCTCGTGAATGACAGTCAAATCCATTCTTAAGCAAGCTTCACCAAGTGGTGT  
AAGAGGTAAATCTGAGGCATCACGCGGTATGCCAATAATACATGTGAAGGAACCTCAGTGTCCGTCTGAAG  
AGGAGTTAGAGAGGAACTAATGATTTTGGATTAGGGCGTTCTCGAGGCTCATACTGCAAGCAGCGAGAAGC  
TAATCTCACTAATTCAGTCCCTTCATCATTTGAAAATTGTCCTTCCAAACAAGAATCTGTCAGCATTTGAAGATT  
CCTGTCCCTTATTAAGTCAAGAGCATGGCTAGGTGGGATATGTTTTCCACTGAGGAGGTCAAGCAATAGAGTG  
CCAAAGCTGTACATAACACTTTCTGGAGTAACTCTTCTGTTTTTAGATACTCCGGAGGACAAAATGCCAAATT  
TGTGCTGTAGCTTTTACCATCTCTACTGTTTTT

>trans\_c\_2710 Novel Gene

AGTCTCCATCGGCTTAAAATCAGATTATCATCCACTGAGTGGCCGATCGTTGCCTTCCAGCGCCGTCGACTAGA  
TTTCTCAAGATGTATACGGCCTTGAAAAAGATCCACAAGGATAAGGATGCTGAAGCTTCCGAGTTCGAGGAG  
ACTGTTGCGCAGGCACTCTTTGATTTGGAAAACACCAATTCGGAGCTGAAAAGTGACCTTAAGGATTTGTACA  
TTAATTCAGCGCTTCAAGTTGATGTTTCTGAAAACAGGAAGGCCGTTGTTATCTATGTTCCCTTTAGATTGAGG  
AAGGCTTTTCGCAAGATTCAGTTGAGGCTTGTCGTGAGTTAGAAAAGAAGTTCAGCGGGAAGGATGTGATT  
CTGGTGGCTAACCGAAGAATCTTGAGACCCCCAAAGAAAGGCTCAGCAGTTCAAAGGCCACGCACCCGAAC  
CTTACTTCCGTGCACGAAGCAATGCTAGAAGATATTGTTTTGCCTGCAGAGATTGTGGGGAAACGAACAGAT  
ACAGGGTTGATGGTTCAAAAATCATGAAGGTTTTCTTGACCCAAAGGAGAGGAACAACACTGAGTACAAGT  
TGGAGAGCTTTGCCGCAGTTTACAGGAAGCTTTCTGGGAAAGATGTTGCGTTTGAGTTCCCGATAACCGAGGC  
CTAATAATAACCTTCATGCAATGTGATACCGTTTTAGATGCATTTAGTTAAAAGTCATTCAAATTTTTGATGTTG  
AGAACGTTGAGTGATGGTCTTAGATTCTGTTTTATATGATTTTTGATTTGCCAAAGCGAATTGTTTTATGAAT  
GTGGTAGCATTTGAATGCCTTTATTTATTCTTGATTGTTATGTTTACCAATTTGGAGTAGACGTTTTAATCAGC  
CGTGAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2711 XM\_002882214|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UPF0131 protein At3g02910, mRNA

AGAAAAGAGAAAGAACTCTTTTTCCCTAATTTTTCTCGCAAAATTTCTCTCTCTCTCCCAACAGCTTCC  
GATTCGATAATCAAACAACTGCTGATCTCATTGCAAAATTCTCTCCCTCTCTCTCTCTCCGCTGCGGCT  
GCATCATCAAGATCTTAAAGCCAGAACTGAGGGAGCGATGGTTGCCAAGCCAAACAAACGTTCTACGAC  
TTTCATCTTCACTACGGTACTCTCAAACGCGGATTCTGGAACCATACGTTATTGCAAGACCTGATGCGAACAG  
GAGACGCTTCTTTCGTGCGAAGTTACCGGACGAGGGAGAGGTTTCCGCTCGTTTGCGGACCTTTCAAGTCCC  
GTTTCTGATAAACTCGCTGGTTCTGGTCACATAGTTGAAGGCGAGGTTTATGCGGTAACGAAGGGAGGATTA  
GGGAGAACGGATGAACTGGAAGGATTGAGCCGCGGACACTACGTCCGGCTCCCGATTGATGTGGAAGCATC  
GGAGGGCGGAGGTGTAGTAGCTGCGGAGGCGTATTATGCACATCCGAGTTACGCGATGGAGCTATGGAAGA  
AGAAGAAGGAAATGGGTGGAGTGATAAGTTCGTATTGCGAGAAAGAAGCGAAAGGTTATGTGAAACGTAA  
GATAGGCCTCAACATTTAACGTTCCCTTGATCATATTAGTTTGTTTCTTTCATCTTCATCTGATTAGGCCTTTTTCT  
TTTCTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTGCTTCTTCAAAATTTGGGGCAATTTTGCCTAATTTGTGATGAAATC  
TTGTGTGTAATTGTTGATTGAGGATTCGTTTACTGAAAATCAAATCCGATGGTAATTAGGGGTTTCTTCTT  
TTTGATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2712 XM\_002862703|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata myb family transcription factor,  
mRNA

CTTCAGCTCTGAACTGAAAATGGAGTTCCTGGACGAAGATGCGAAGCCCAGGTTCTCTTCCACTCTCGCGCC  
AATCCATCTCCGGCGATGGAGCTCCAATCAGATTCTCAGTCCACCAAATCTTTCTCTCAATCACCGTCGTAATC  
TCTTCCATTTTCTCATTCTCTCAATCGTATTCTGTCGAATTCGAACCTTCAGATCCCTTTTCATCTGGCTTTCTCT  
CTCCCTTCTCGTCGGGCCCTTTTGCCCCATTTCCCTCACCGGTGGCGACATTCGTGTGCGTGCAGGTCCGATCCT  
CGAAATCCCCGACGAAGAACTCGAAGCAGAAGACGATTGGAAGAAGAAACCCGTTCAAAGCGCTCAAAGC  
GCGTAGATCTAACGATGAAATCGCCGTTGCTTCAATCGTAGTCGCTGAAAAATCCTCTGCGAAAATTGATAAC  
AGGAATGGAGTAGGTCATCAGAGTAACAAAAATGGAGTCGATTTTGCGATTGAGGAAGCGGAATGGGACGA  
TGCGGAATTAGGGTTTTTGAAGAAGCAATTAGCGAAACATCCTGTGGGGAAACCGAGACGGTGGGAGATAA  
TTGCTGAGGCGTTTGGTGGGAAGGCATAAAGTGGAGAATGTGATTAAAATGGCTAAGGAAATGGGAGAGAAG  
AAATTAGGCGATGAGGATTCGTATGCTCAATTTCTGAAGAATAGGAAACCAATGGATAAGAGAATTGAGAAC  
GTCAATGAAGAAGCCCCACGGCCGCGTCGCCGGCGGTTGGAGTTCAGGTGAAGACATTGCATTGCTTAAT  
GCTTTGAAGGCATTTCAAAGGATTCAGCGATGAGATGGGAGAAAAATCGCAGCTGCAGTTCGGGGGATACCA  
AGGCAGCTTGATGAGGAGAGTTGGGGAATTGAAAAGGGATT



>trans\_c\_2713 Novel Gene

[illegible]

>trans\_c\_2714 EU717678|Litchi chinensis GAST-like protein mRNA, complete cds

ATTTTCTAACCTTTCTCTCTTCATCTTCATACCATGGCAATTCCTAAAATCATCCCTTGCTTGTGCGCGATGTCT  
CTTCTCGTTCTTTGTTTGTGAAGCTGATGACATGGTAACTTTTTAGCTTCATATATTATTCTCGTTTAAACC  
TGTTTTTAATCCACCTGCTACAGAAATCATTCTCGTATCCGATTTGGGTTTCAGGTTGTTGGTGTTCAGCTAGT  
CCCACTTTGACTCAAAATATTAATTGTGGAGGAGCTTGTGCATCGAGGTGCAAACTATCTTCAAGGCCGAACCT  
GTGCAAGAGGGCATGTGGCACGTGCTGTGCACGTTGCAGCTGCGTGCCGCCGGGCACTTCCGGAACTATGG  
GGCTTGCCCTTGCTACGCGAAACTGACCACTCACGGCGGCCGCGCAAAGTGTCTTGAGTTAATTATTCATTA  
TATTA AAAAAGTTACTGTATTGAAAAGTCCGTCATAATTTCCCCCATGCAAAGGTCTCTGTTCTGTTTTCGTTG  
TCGTCATCTTCAACCTTTCTAAGCTTTGATTAATAATAAAATTTTCAAAGAGTGTTTAATAAGGAATTTATGT  
AAAATAAAGTTTGTATATGGGAGAAAAATCAGATATTTTTTTCCCTGATCTCTTTTGTTTGTTTTCTTTCCAG  
TTATGTGAGTGAATATACAAAACAAATTATGAATTATATTCTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGGCCCCAAAACTTTACC  
AACCCCCCAACCCCAAGGGGGGGCCCCGGACCCCACTTCCCCTTATAAGGAGTTGAATAACACCCCCCCCCCTG  
GCCCCATTTTAAACCCCTGGAC

>trans\_c\_2715 NM\_104462|Arabidopsis thaliana ATCSLE1; cellulose synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATCSLE1) mRNA, complete cds

ATACAAAGCCAAGGATGAAATCAGTTTATTGCAACCCAGATAGGGAAGCCTTCCTAGGTGTTGCACCAACCT  
CATTAAATTCAGACATTAGTTCAACATAAGCGATGGTCGGAAGGTGACTTCCAAATTTTACTTTCCAGATATAGT  
CCTGCGCGGTGTACTCGTGAAAGATCAGCTTCGGCCTACGAATGGGATATTGCATCTATTGTTTTTGGGCTG  
TGAATTCCTTGGAACAATATATTACTCCATCATCCCTCTCTTTATCTCCTCAAAGGTGTTCCCTTGTTCCACA  
GGTTTCAAGCCTATGGTTGATACCTTTCACATATGTGATATTTGCCAAGTATGTTGCTAGTTTGGTGGAATTTT  
GTTGATTGGAGGAACAGTCAAAGGTTGGTGGAATGAACAGAGGATTTGGCTGTATAAAAGAACAAGATCCTA  
TCTCTTTGCTCTTATAGATTCTGCCTTGAAGATACTTGATGGTCTGATTTAACATTTGTAATCACAGCTAAAGT  
GACTGATCAAGAAGTCTCTCAAAGATATGAAAAGGAGATAATGGAATTTGGAGCTTCCTCTCCATTGTTACC  
ATCTTAACAACAACCTCTTGCTTAATTTGTTTTGCTTCTTGGGATGATGAAGAAAGCAGCAAAAACTGATAA  
TGGTTTGGTGATGGCTTTTCAAGCAATGGGTTTGCAAGTTCCTCTTGAGGAATTTTGGATCTGATCAATTGGC  
CTTCGTACCAAGGAATGTTCTTTACAACAGATAGGGGGCAAGATGCCAAGCTCCCTGACTATTCAATCCCTTATA

TTGGCTCTAGCCACTTGTCTTTCTTTTCATTTCTACTTTAACTTGATCCTTTCTTAAAATTATAGATTTTCAAAAA  
AAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2716 Novel Gene

GCGGTGGCAGCCTAGAAGGTCTCGAAGGTTCAAGCTAAGTCTCTGAAGCCTTAACTTCATTTACAAAGTCCGG  
TCATATACTCTCCACCATGTGCGAGAAGGAAGACTAGAGAGCCTAAGGAGGAACTGTCACTCTTGCCCTGCT  
GTTCTGTGAAGGAGAGCATGTCTTTGGTGTGCTCACATTTTGGCTCGTTTAATGACACTTTCATTCATGTGACC  
GATCTGTCTGGTCGGGAAACACTTGTTGCGATCACTGGTGGTATGAAGGTGAAAGCTGATAGAGATGAATCG  
TCGCCTTATGCTGCCATGCTTGCTGCCCAAGACGTTTCTCAAAGATGCAAGGAAGTGGCATCACTGCTTTACA  
CATAAGCTTCGGGCTACTGGTGGAATAAAACCAAACTCCTGGACCTGGTGTCAATCAGCTCTTAGAGCC  
CTTGACGTTTCAGGCATGAGGATCGGTGCTATAGAGGATGTAAGTCCAATACCTACCGACAGCACTCGAAGAA  
AGGGTGGAAGGAGAGGAAGAAGACTGTGATTCATAGCCATCTTCAAATGGGTTTGCACTTCTTGCTGCTCG  
ACCATTGAGTTCCATAGTTTTAGACAACGTAGCATGTTCAATCGACAAATCCGGTGTTTTGGTTTTGGTGTTT  
ATCAAGATTTTTGCTGTGTTTTGATTTAAATCATTTAGTCAATTGAGTTTGATACTTTCTTTTTTGGCTGCATTT  
TATAATTAATTAATGATTAATATTGATGTGTGGGACTCGTCGCATATAGCCATATAAGTCTGATTGACCGATGG  
TATCATGTGTTAGTTTTATATACTAGACGAAAACAATAATTATTGTCACTCTTTGAATATACTAACTGATTTTCCC  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2717 BT029181|Arabidopsis thaliana At3g14910 mRNA, complete cds

TATAATGGAATTAACCTTAATCCATGGGATAAAAAATATTATAGTGAATCCTGTCAATTATTGTGACATTTTGT  
TTACTTTGTATGGTGGCATCATGTGAAAAGACTTTCTGAAGACAAGAGCAGGTCTTTAGTGGGAGCCATTTTA  
TCAAAGTTGTCCCTGCAACATTTTCGACAATAGCTTCATTTTCAAATGATTTGGCGAAGTGAACCAAAAC  
ATCTAAAAGCCGGATGCGAAGGGTCAAGCTTTTGCTCGAGCCTCTCCTTTGACGTGCTTGAAGGACCATCCG  
AGAAAGGGTGAGAACTGACTTTGTCTCCAAGCGGTACACTGGCAGCGATTACAGATTCATTGGGTGCAATA  
CTGCTCCTAGACACCCAGGCACTTGTTGGTGGTGGGACTGTGGAAGGGATATCGTGATGCCAACTGTTTGTTCA  
TGGAGATGCTAGTCAATAGAGATACTGCATCATCGAGTTCTAATTCCATGGATTATGAACCAGCAAAAAATGA  
TTACTGCTTGTGTTTGGCTATTGCTCCACGAAAGGGGATAGTTGAGATATGGCAGATGAGAACGGGGCG  
TCGTCTCCGAACCATTCGATGTTCTAAGGGTAGCAAATACTGCAACCTTCTCCAGGTTTGGATCGTCCATGG  
TTTCCCCTTATGTGCCATTGGAAGTTTTCTTATTAATGGAGATTCTGGTCAGATTTCTGTTCTAAACCGAACCC  
TTTGATTAACCTTGAACTGTATGATTTTCTCATTTCTAATAGTGAAAAATAATCTCTTACCATTATATCATTT  
GGTCTACTGAAGAGCTGTTCTGTAGCCTAATTTAGATTGTTTATCTAATCTTTGATGAGATAGCCGATCCG  
ATCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2718 EF533161|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Koshihikari RLD13 locus,  
partial sequence

AACTTCAATGGTGGAATATCCAAAGATTCCAACCCCATTAACGCCAAAACCTTCTCTTCTTCAACCTTCTC  
CTCCTCCTCCACCTCCTCCCCTCCTTCTCAAACCCCTATTCTTCAATTTACCTCCACATTTCTTTTCTGTGCC  
TACCTTTTCCGAACACTTCTTTCAACCACCAATTCCAATCGCCCTCTCTGTTTCCAGATCCATTTCAATTCCTTCG  
CTTCTGATTTCCCAAGTGGGTGGGTTTCCCCCTTTTGCCTATTTGGGTATTTGTTTTAGGGTTTTTGATCC  
CATAATTTTTCTGCGTTTAAGAAGATTGCGCAACCCATGTGCGGCTGGAGTCTGTGGAAAGCGTGTGGGGTTTG  
AAGAGATCTTTGGATCTTCTTCTCCGACGGCCTGTTCTTCCGCTAAGAGGTCTCGTTGGTCCACTTTCGGAT  
CCCCGACCCGATCGGACTTCGGGTCTGGACCTGACGATTCTGCTTCGGTTTTGCTTCAAATGTTCCCTGGAGTT  
GGTGCAGAGGTGCCTTCTTCGATGATTTTAGTGCTCGTGGTGAATCTGCGACGATAGGAAATTGTTCTACTG  
TTCTGGATGAGAGAACAGCTACATGCAGCCAAATGTCACATGAGAAGATCGAAGAAGCTAAAGATGTTAGTT

CGGCCGTTGCTGAAGGGAATGGAATGCATGGGTCCAAATGGGTTGACATGTTTGTGCAAGAAATGGCGGGG  
GCAGTGGATGTTGGCGATGCTAGAATTCGAGCTGCAAGGATTTTAGAAGCTTTTGAACATAATGTAAGTGTGA  
ATTCAAGAAAATCGGAAGAGTTAAAGCATGCTTCTTTGAAGGAGCATTTGCAAAGTTTGGTAAATGACAACCA  
AATTTTAAAAGAGAGCGGTAGCCATTC

>trans\_c\_2719 AY491500|Capsicum annuum ubiquitin-conjugating enzyme E2 mRNA, complete cds

AGTGGTTTTTGTAAATAATTGCAAATCCTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCTCCTTCTTCTTCTTCTTCTT  
CTTTCTTTTTTTGTTTTTTGTTTTTTGTTTTTTGTTTCTGTTTCTCTCAGGCAAAACAACAAACACGCAGGAG  
GATCTCAAGAGCTTCCACTCTTTTGGATTTTGGCTATGGCTTCGAAACGGATCTTGAAAGAGCTCAAGGATCTC  
CAGAAAGATCCTCCTACGTCTTGCAAGTGCAGGCCAGTAGCTGAAGACATGTTCCATTGGCAAGCAACAATTA  
TGGGCCCTCCTGACAGTCTTATGCTGGAGGAGTGTCTTGTCAACATTCATTTCCCTCCAGATTATCCGTTTA  
AACCACCCAAGGTTGCATTACAGAACAAAGGTCTTTCATCCCAATATCAACAGCAACGGTAGCATATGCCTCGA  
CATACTTAAGGAGCAGTGGAGCCCTGCATTAACCATTTCCAAGGTGTTACTTTTCGATCTGCTCGCTGCTAACGG  
ACCCAAATCCTGATGATCCTTTGGTGCCAGAGATTGCGCATATGTACAAGACTGACAGAAGCAAGTACGAAGC  
AACTGCCAGAAGCTGGACCCAGAAATATGCTATGGGTAGTGTGTTGCTGCTTTGCTCTTTATTGTTGTTTAGA  
GGAGGGGCGGCTTCTTTCCCAATGGCCTTTACTTGAATATATCTTTGAATCTGCTTCTTCTTTCTCCAAT  
GGGGTTTAGGTATGTTTCCCTCCTGAAAAAGAACAAAAACGCTGCCTGTTCTAAACTGTTTGTATGGATAA  
ACAAATTTATCTTTAATCTTGAGAGTCTATCCAATAAAAACTTGGACCTACCCTAATGCCCTTCATGAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2720 NM\_128774|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT2G32150) mRNA, complete cds

TCGCTCTCTGTTTTCTATTCTCTGTTTTCAATCATGGCTTCCTCTTCCACTGCCTCATTTTCGATTTAGATG  
ATACTCTGTACCCATTCAACACTGGAATTGCTACCGCTTGCAAGAAAAACATTGAAGATTTTCTGATTGAGAAA  
TGTGGATTCCAAAAACCAAGCTCCCATCTTCGAACAGAGCTTTTTAAACATACGGCAGTACTCTGGCTGG  
TTTGCAGCATTGGGATATGACATCAAAGCCGATGATTACCATGGTTTCGTGCACGGGAGGTTGCCGTACGAT  
AGGATCAAACAAGATTTTCAACTCCGGCGCCTTTTACTCTCCATTCTCAAGAAAAATCATATTTACGAATTCC  
GACATGATCCATGCAACGAAAGCGCTCAGTCGACTTGGGTAGAGGGTTGTTTCGAGAAGATCATATGTTTCG  
AGACGATGAACCCAAATCTTCAAAGGCGACTCGACCGAACGAGTTTCCGATCCTTTTGAAGCCATCGATGGA  
CGCCATGAGAATCGCACTTGATGTCGCCGATGTTGACCTCGTCATACGTTGTTTCTTGACGACAACATCCGCA  
ACATTGCTGCCGAAAAATCCCTCGGCCTTCGTAAGTGTGTTGGTGGGGAAGACGGTGAAGAGTAAGGAGGCGG  
ATTACGTGGTGGAGAGTGTGCATAATTTAGTACAAGTTATACCGGAGATATGGATGAATACAGCAGATTCCG  
ACGGTGATGATGAAATGATGAATCGGAGCCGAAACGAGGTTGATTCCATTCATATGACAGCAGCAGCAGCTG  
TTGGTGCTTAAATTATTTGATGGAATCTTTTTTGTACATAAGTGGGTCTGTTTGATCAAATGTATAAACCCC  
TAGTTAAGTAGGGTGTTAATGAATGTACAAA

>trans\_c\_2721 NM\_202798|Arabidopsis thaliana synaptobrevin-related family protein  
(AT4G10170) mRNA, complete cds

AATACAAAGGCTTACTACTACTACTACTACGAGACGTATCCCTAAAAAAGGAGAAAAATTCCTCGCCGAT  
TTTTCCCTTTACTCCAAGTCTTCCACACAGCAGACAAAGTCAAATATGAGAAACCCACCGATTTGTCCAATT  
GGAACTTTTTCTTCTAATTTCTCGCCGGTGACTCCCTGCTCGTTTTCTCCAATGCCTTTTTTGGTGATTTTT  
CATTGAATTTCTTCACTATCTCTTCTTGGCTGCGGAAATTTGTTTTGAATATTCAACCTACCGGTGTAGC  
CTGGTTTTTTCTCCCAATTGCTTTGATCTGTAACCGATAATTTAATTGTAATTTGTTTGGTTTCTGGAAGAATT  
GCCAAAATTACTTGCGATTTTGTGTTTTGAAGATCCGGATTGATGAGTATCAGATGGTTTGAAATGAAAGGTG

GATAGTGAATGAGTGAGTGAGTGTTTGTAGTCTTCATTTCTAGGAGTTGCTTTGCTTCTGTGTGCTGTTGAA  
TTTGCTGAAAATCTTCCATCCTTCAAATGGATCTGAGTCATGGCACAATTCATTATTGTTCTGTTTCAAGGGGG  
GAACGTATGCTCTATGTGTATAGTAATGGTGATCAGGAGATTGAGAATTTAGCTGATTTATGCTTGAAAAGTG  
CCCCTCCATATCACAAGTGGTATTTTGAACATTGGGTAAAAAGACTTTTGGATTTTGTATGAAAGAAGGGTAT  
GTTTATTTTGCAATTGCTGATGAAGTTATTGGTAATCAGCCTCTTCTCCAGTTTCTAGAGCAGTTGAGAGATGA  
ATTCAAAAGGGTAGCAAAAAAGGGGTCACGAGGGAGTTTCTCAAGTATGAACTCCACTAGTTGGCAAGAACA  
GCTAGTGCCTGTAATTTGTAAGTTA

>trans\_c\_2722 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

CAGAGGAAGGAAGATAGAAGAGCCAGATTGCAGGCTCAGTTCTCTCAAATACGGCCAGTTGCCATGCCTGCT  
TCAGTTGCCCCTCGGATGCCAATATATCCCCCTGGTGGACCAGGTATTGGACAGCAGTTGTTTTATGGTCAAG  
CTCCTCCTGCAATGATTCTTCCCAAGGTGGCTTTGGTTATCAGCAGCAGCTTGTTCCTGGTATAAGGCCTGGT  
GGAGGACCAATGCCAAATTTTTTGTCCCAATGGTTCAGCAAGGTCAGCAAGGCCAGCGCCCTGGGGGCAGA  
CGTGCAAGGAGCTGTCCAGCAAACTCAGCAGCCTGTTCCAATGATGCAACAACAGATGTTGCCTAGAGGAGGA  
CGTGTCTATCGGTATCCCCCTGGAAGAGGTTTGCCTGATGTTGCTATGCCTGGTGTGCTGGAGGCATGTTTTC  
TGTTCCATATGATATGGGAGGTATGCCATTGCGAGATGCGGCACACTCTCAACCTATCCCTATTGGTGCCTG  
GCTTCTGCTCTGGCAAATGCTACTCCCGACCAACAGAGAACAATGCTGGGGGAGAATCTTTACCCGCTTGTTG  
AACAGTTAGAGCCTCTGTTGGCGGCCAAGGTAAGTGAATGCTTCTGGAGATGGACCAGACTGAGGTTTTGC  
ATTTACTAGAGTCCCCAGAACTTTGAAGGCGAAAGTAGCGGAAGCTATGGAGGTTTTGAGGAATGTTGCGG  
CAGCTCAGCAGCAGCAGCAAGCTGGCAATGCAGCAGATCAGCTAGCTTCTCTGTCTGCTGACGGAGAAACCTG  
TGTCGTGAGTTGCTTGTGTTTATAAAGCTCCCTGAGTCATGAAACGAAAATGTAGTTGTGTGTGATACAATTG  
ACTGTTTGTATTTTTGGAGACACGCCATGACATGCGCGGGT

>trans\_c\_2723 AY062823|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g22280; MWD9.6) mRNA,  
complete cds

ATAATGGTGGACACGTGCGAGCCTCACTGTCGCTCAACCTCAACCCAGCTGAATGCGACCCAATTCCTAGCT  
TCATCTCGAAGAAATCTGATTCCGACTAAACTGAGATGCCCCATTGATCAGTGGGCTTTCTTTTTTCATTCTAA  
CTCTCCCAATATTTTTTTTTAATTTCTGTTTTCGTTATATTCAAAAGTTTGGATATTTTGGAGGATTGCTGTTCTC  
AGCTTTTCTCAGTGGGAACACGTTAGTGGATGGTAATTTCCGGTGAAGATTTCTGCTCGATTTTCTGGGTTTTCT  
GTGGATTCTCAGGTTTTGTTTGAAGCTATTGGGTAGGACTGGTAAGTCTGATAGCTTTTGGGAAAACATAAAA  
CTTGGTTGTAATAATGTCAAGACCTTGGGTTCTTGTGTGTCTGCTGTTACTGATCGTCTTCTCCTCACAATTTGA  
GTGGAGGCAACAGTATGAGAACGAGCTTGAAGCAGGTCCAAACGCCTCACAGAGAGAACCCCTTATCTCAGA  
AAGAGAGGAAGCTGTAAAAGAAAAGATTATCCTGTCCAGGAGAAAAATATCCAGAGATTGAACGAGCTGGT  
GCAAAGTCTTAGAAGACAGTTACTCCAATGCAAGGGTGAACACGAGGCCGTGAATAGCACGGTGAAGCCCAT  
CACTGAACCTCTAACAGTGTTTCGACCAGCAGCCTATGCTGGATGATTAGTTCCCATGGCACTGACCACCACGGT  
TGCTGTTTGCAAGCTCCGTTTCTGTTTCAAGTAATCTAGCTTGATGATGAGGTTGAGTCTGAATCAATATTACATTT  
TGATAGGACTTAAGTGTAGATGTAGAACATTGTCTCCATGTTTCAAGCTCTATACATCATTGATAAATGACAATTA  
TATATCAAATCTAAGCTCTATTATAAGTC

>trans\_c\_2724 GQ377426|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription  
factor 6 mRNA, complete cds

ACTCTTCTCTCAACTTTGATTCCATTCCCATGCTCAATTTGCGATCTTTCCACCTTCAATCATGGAGTTTCTCTCTC  
TAATTCAAGAGCTTAATCAAGGCAAACAACCTCGCTAACCAACTCCGTAACCATCTTCATCCTTCTTCTCCTCCC  
ATGGCATTCTCTTAGTCGATAAGATTCTTCGTTCTACGAAAACGCGCTTTTGGCTCTCTCCGCCGGTGGCGGT

GCTTCCGTCAATTCGCCATTGCTCCGGTCAATGCGGCTGTCAAAGATGGAGATGTATCCAAAAAGAGAAAGT  
TAATGGCGAAATGGAGTGAACAGGTTAAGGTTTCCTCTGGCTCTGCTGTTGAAGGTCCGTGTTGTGATGGATT  
TAGTTGGAGAAAAGTATGGTCAGAAGGATATTCTTGGATCCCAATTTCCAGAGGCTATTTTAGATGCTCACATC  
GCTTTACACAAGGATGTTTAGCGACAAAACAAGTTCAAAAGTCAGACAATGATCCAACCATTTATGATGTAAC  
TTATAGAGGAAGACACACTTGCAACAAAGCCCTTCATTCAACAAACACACCACAAGAACACCAAAACTCATT  
CTTCAACACCCAATCCCACCAAAACAAGAAGAAAAGCCATTGCAGCAGTTACATGATCCTTTATGTTTTATGTT  
CAGCTCCGACCCCATTCGAGTAAAATCCGAGAAGTTAGACAATGCCAATGGTGGCCTCCTTCAACCATTTTGTG  
CCCCATCCCCGATGTTGCGTTCTGAAAGTCAAGATGATCAAAGCCCTTTAGGGAAAGTGAGTGTTCTCTGAC  
GTTTGAATCGAATGATACGTTTGGATTGTGCTGTGATTCGAAACTGGGTTTGTGTCGATTCTAGTTCAATGA  
CTAATATTTGATTGGAGACTTGGAGGA

>trans\_c\_2725 NM\_114946|Arabidopsis thaliana clathrin adaptor complex small chain family  
protein (AT3G50860) mRNA, complete cds

TTCTAGTTCTGGATTGAACCAACTAGAAATTTTGGTGCTTATACTCACTCCGATTTGCCTCTAATCGGATTACCC  
ATTACGTTGATAGTTCAGATCTAGAAGTTTCGACTCTTCGGACAGCAACCAGAGAAGATCAAGCCTTTTTGGT  
TAGTTTCAGGCTTCTGCACGAGAATTTCTTAGATCCTGACGGCAAACATAGTTTGAAGTCTACGATTTTCAGCCC  
CATGATACGGTCGGTGATAGTGATGAATACTGAGGGCAAGCCTCGGTTTGCTAAGTTCTACGATTTTCAGCCC  
ATAGAGAAGCAGCAGGAGCTCATTGCGAGCGTCTATGGAGTACTTTGCAGTCGAGCTGAGAACATCAGCAAT  
TTCGTGGAGGCTGAGTCCATCTTCGGTTCGGAAGTCTGCGTCTTGTGTTACAAACACTTTGCAACCCTTTATTTGTG  
CTTGCTTTAACAGTTCTGAGAATGAGCTTGCCATGCTTGACCTGATACAAGTTTTGTAGAAACATTGGACAA  
GTGCTTCAAAAATGTATGTGAGCTTGACTTAGTGTTCAACTACAGCAAGATGCATTGATTTGGATGAAATCA  
TTTCTGGTGGCCAAGTGCTAGAGACTAGTTCTTCTGAAGTGATGAAGGCTGTTGAAGAAATATCCAAGTTGGA  
AACAGCCTCAAAATCTATCAACTTTGTCTCAAAAACAGTTTCTGGTTGGCGGGGTTGAGTTCGTTGGTTTAACC  
GAGTTGGCAACACGATTGAGGGGGCATTCTTATAGATGCCTTGCTTGAATTTTTGCTAGACCTGGTTGTTGGT  
TTTGAAGTGGGATAGTGTTGGATAGGCAATCTCCAGCTATATCCGAATCGAAGACAACATGTATTTGCATCATT  
AATTGACAGATTTGAGATGGCTGCTGAGT

>trans\_c\_2726 AY052689|Arabidopsis thaliana AT3g51510/F26O13\_150 mRNA, complete cds

TTATCCTCAGTATTATCTCCCTCCAAAACCGACCGCTCGATCCAGTCTCTCTCCCATCTCCGCCGGTTGTTTCAC  
GGAGGCCGGAAGCCCTACGCTCGCAGGGGCTTCTCACCTCACTCATCTCTCGCAGCAAAGTTCCTTCCGTA  
CCAAAAAGAAGACTGAAGGGGTTGAAAGAAGAATTGGGAGTGATGTCTGCAACGCTGTTGTCTTATTGCAA  
TCCAAGTCTAGCTTGTAATTACGCGAGGATGGATTTGAAACGCATGGCTCTCGGACATTTACGGTCTATTGGA  
AGGAGAAACAATGGCCATCGCAAGCTTACGGTCTTTGCCGTTACTGAAGGGTCTGCAAAATCAAGCGAGTCT  
GAAGAAACAATTCCTTCTGGGCGAAATTAGATTGAGGAGCCTCCACCTTGGGCAAAGGAAGAACGCAAG  
GAACTGGAACCCAGCAGGGATTTGAGGTCCCTTTCTATGTTTACTTGCTTGCCTCATCTATCACTGCAATTGCT  
GCTATAGGTTCCGTATTTGAGTACGTGAACCAGAAGCCTGTCTTTGGAATTATAAATTCAGACAGCATATTGTA  
CGCTCCATTGCTTGGATTTTTCGCTTTTACTGGCATTCCCACTGCTGCATTCCTTGGTTCAAATCTGTTGAAGTT  
GCTAATAAAGAAGCTGAGGAACAGGACAGAAGGGATGGTTACTGTAGAATATTTATCTCTAACACGAATTTA  
TTGTTCTTTGGAAGTAACAATGCTGTCTCCCCCTTGTTTCTGTATATTCTCTACGAGCAAGCTACTGTATAATT  
GATGTTAATTAGACAGCTATTGCTGTTCATGATTTCAATTTCTAAAAAAGATGTATATCATATATTGTTTAA  
TTGAACAAAAA

>trans\_c\_2727 NM\_122000|Arabidopsis thaliana integral membrane family protein (AT5G19930)  
mRNA, complete cds

TTGGAAGTTGGAACCTCCCCTCGTATTCTCTTTTTCTTCATTTAGATGATACAGATTACTTGATTCTATTTCA  
ATTTCACTTTCTAATCCCATTTCGCTTCAATTAAGCGACTTGCAGATCAAAAATGGAGTATAATCTAATTCA  
GCCATCTGTCGCGGTAATAATCGCATCAATTATCGCTTCCGAGCTTACCGTAGAAAATCGTTGAACCTCTCTG  
GAGCTCTTGCCGGATTATTGTGTCATGTCAACCCATTTGCTATCAACTACAGGTATGGTGTGTGCTTCTGTAT  
TCTTTTTACTTCATCTAAGCTTACTAAGGTTGGGGAAGAGAAGAAACGAGTCGTTGATGCTGATTTTAAGGA  
AGGTGGTCAAAGAAATTGGGTTCAAGTTCTATTTAATAGTGGTATTGCTACGGTTTTGGCTGTGATTATTTGGA  
AAATTACTGGATGGCAAGATAAATGCCTGGACTCTAAAGACTCAGCTCTTGTCACTGCTCTCATTGGGGGCAT  
TCTAGGGCACTACTCTGCTGCAATGGGGATACATGGTCTTCTGAGCTTGAATTCTTAGTGATGCAACACCTC  
GATTAATCACAACTTCAAGCCTGTTGAAAGGGTACAAATGGTGCAGTAACAAATGCAGGGCTCCTTGCTGC  
TACTGCTGCAGGTGCTGTATAGGACTGACGTTTGTCTCCTAGGATTTTCACTGCGAAATGTGATTATAGCA  
CAACGCTGAAACAGCTATTGGTAATTCCTCTAGCAGCCGTGGCTGGACTTTGTGGAAGTGTATAGACTCTCTT  
TTGGGAGCAACAGTGCAATTCAGTGGATTCTGCACAGTTCGTAATAAGGTTGTAGGAAAACCAGGACAACAG  
TAAAAAGGATATCAGGTCTCAACATTCT

>trans\_c\_2728 AY105507|Zea mays PCO119884 mRNA sequence

TTGTAATTTTCCATTGATGGATGAAGATCAAGCTTTGGAATCCATATTCTGAATTTCACTGATTTTCTAAATATA  
TATATATTTTTTTCTTTCCAGTGGCAAAAACCTAGCCAGGAAACCTGGCAAACCTGGAGGATTGAGGGCTCG  
CTTGTCGTTGAAGCATTCCATTTCTGATCACAACGACGACGAGGAGGAGTGCAGACCTTGGCGTCGTCGCTCTT  
TCTATGGCTTTCACATGGCGCTCCGCCCTCAAGATTACCCTCTTACTCCTACTTCTTGCTGCTGCTGTAACCTGCCT  
GTTTTACCCTCCCAATCGAGAAGATTCTGAAGGACTTTTTACTATGGGTTTCATGAAGATCTTGGCGCTTGGGGT  
CCACTTGTGCTGTCTATTGCATACATTCTTTGACAGTGCTGGCAGTTCCTGCCTCGATACTTACTCTTGGTGGT  
GGTTATCTATTTGGGTTACCTGTGGGCTTTGTTGCTGATTCCATTGGTGCAACTGTTGGGGCTGGGGCAGCTTT  
CCTTCTTGGGCGAACTATTGGAAAGTCATTTGTGGTTTCCAAGCTGAAGGATTATCCACAGTTTCATTGGGTTG  
CAATTGCTATTAATCGGTCTGGATTAAAGATTGTTTTGCTGCTTCGGCTTGACCGTTACTGCCATTCAACATGT  
TGAATTACCTATTGTCCGTGACTCCTGTTTCACTAGGGGAGTACATGTTGGCTTCATGGTTGGGAATGATGCCC  
ATCACACTTGCAATTAGTATATGTTGGAAACACACTCAAAGATCTGTCGGAAGGTACACATGGTTGGGGGAGAT  
TTTCAAAGACTCGTTGGGCATTATAATATTGGGCCTTGTTGGTATCGGTGGTTCTGGCGTACTGTGTTACCAGA  
GTTGCAAAGGCTGCTTTGGAAAAAG

>trans\_c\_2729 NM\_124567|Arabidopsis thaliana iron ion binding / oxidoreductase, acting on  
paired donors, with incorporation or reduction of molecular oxygen, 2-oxoglutarat> (AT5G51880)  
mRNA, complete cds

GGAAACACAGGGGAAGAAGAGAAAAATGGCGGGTAGAAGAGGGGAGGGGGATTTCATAAAACAGACCCC  
TCTTCGAACTGGCCACCCATTAAACCCAAGCAGAATCTTCAAGTCAACCTGCTGAAAGGAAATGATCTTTTCA  
CGTGCCAAGTTTTTTCACATGTGTTGAGTCAAAAGCATTATCAAGGCTGCAGAGTCATTGGGTTTTCTTCATC  
AGGGGAGCCTTGGTCTACTAAAGGAGAAGCTTATAGAGATAATGATCGAATCTCGGTGAATGATCCTGATTT  
AGCAGACATCATTTGGCGTTCCGGGCTTAATAATCTATTTGCCGATATTAATAATCGGGGCAAAATTGCTGTTG  
GGTTGAATCCAAATATCAGATTATACAGATACAAGGTGGGTGAGCGCTTGGACGTCATATTGATGAAAGTGT  
TGATCTTGAGGAGGCAAGCGCACATATTATACCTTGTTGATATACTTAAGTGGAGGTTCCAAAAACAAAACA  
AAAAACGATACGAACAATTCCAAAGATCCTTCATCTGAGCCTCTGTTGGAGGGGAACTGTTTTCTATGGTT  
CAAGGAATGGTGTATTGCTGAGGTGGCTCTACTGAAGGGATGGCTCTCCTGCACCTTCATGGGGACAAGT  
GTTTGTTCATGAAGCTCGCAACGTTATGAAGGGAGTCAAATATGTTTTCCGTTTCAGATGTCATATTCTCATGA  
TTAGTTCAGGTTGTTGGTGACCTCAATGGAAAGAAAAAAGAAATCGAATTATCTACACATGACCAAGAATG

TAGTACTGATGATTTTGGTTGTTTATACGCCTTCCTGGTGTCTGTAAGAACTGCAAAACAATCACTTAGGTAGCC  
TCCTTATTTGATTGGATGACCCCCACATATCTCGGTAA

>trans\_c\_2730 AY226583|X Citrofortunella mitis leucine-rich repeat protein mRNA, complete cds

AGGAAAAAAAAACCCCACTTTCCTCTTCTCCTTCTTCTCCTTTTTCTATCTTTCATTTCTCCGATTCTAA  
TTTTCTCAACAAATTTCTCCAATTTCCACTTCAAATTCCTCGATCAACCCACATAATTTGCACCCCTTTTCTTCAA  
TCTTCCAGTCTCAGGGTTAGCCATGTCGGCGACTCGCTTCTGGACTTCCTCCACTTTCCTTTTCTCCTTTCCCTA  
ACCTAACTTCTCTTTTCTCCTTGCCTTTTCCAACCTCCGAAGGCGATGCTCTCTACACTCTACGTCGTAGCTTCT  
CCGATCCCCGATAACGTTCTTCAGAGTTGGGATCCTACTCTCGTTAACCTTGTACTTGGTTCATATCACTTGTA  
ATCAGGATAACCGCGTTACCCGAGTGGATTTGGGGAATTCTAATTTGTCTGGACATCTTGTTCCTGAACTTGA  
AGGCTTGAGCATCTGCAATATTTGGAACTTTACAAAAACAACATCCATGGAACGATTCCAAATGAGCTTGGAA  
ACTTGAAGAGCCTCATCAGTTTGGACCTATATAACAACAATATCACTGGAAGAATTCCAGTTTCTTTGGGGAAA  
TTGAAATCTCTTGTGTTCTTACGGCTTAATGATAACCGATTAAATGGACCAATCCCAAGAGAAGTTACTGGAGT  
TACAAGCCTTAAAGTTGTGGATGTCTCGAATAATGACTTGTGTGGGACCATACCAACCAGTGGACCATTGAG  
CACATACCTTTAAACAACCTTTGAGAATAACCCTAGAATGGAAGGACCAGAATTATTAGGACTTGCTAGCTATG  
ACACAAATTGCACATAAGAGGTGATGCTACAATATTTACAACCTAAGAATGAGAAGAATAGGGATTAGGGGG  
GGGGAAGAAAAAATGGTTTTT

>trans\_c\_2731 Novel Gene

ATTTCTGTGTTTCTGGACTCTTCGATCAATCTCCAGCGGCTCAGTTTCTTGTGTTTCTCGTTTCTAACACCATTC  
ATCTTCTTTGAAATCTTCTTCTGAAGGGTCTGTTTTAATCATCGACATGCCAAAGATTAGAAGGGCACGCTCTT  
TGCTACTGGAAAAAAGTAGGACATCTCCTTATCAAGTCAGCCAAAATCATGCCGATTCTTTAGAATCAGCTCAA  
AATGTTAAAGAATGGGAGGAAGCTAGGTGCCCCATCTGCATGGAACATCCCCACAATGCTGTTCTTTTAAAT  
GTTCTCTCATGATAGAGGTTGCAGGCCTTATATGTGCAAAACCAGCTACCGCCACTCGAATTGCTTTGATCAA  
TTCTGTAAGTTATATGGACAAATCCCTTTAATTACCGAATTGCAAGAAATTCCTTCTACACATGTAGTCTCTCAC  
AGACAAATGGTTGAATGTCCACCTGCTGGACAATATGGACATGGTAGGAATCAGCTTGCATCGGAGTTTGT  
GCCCCGTTTGTGCGGGCAGTATATATGGCTATATTGTAGTTGAGCCTGCTCCCCTGTTTATGAATTCCAAAGTA  
AGGAGTTGTTTCATCAGAAAATTGTGATTTTAGCGGCACGTATTCTGAACTCAGGAAGCATGCCAGGTCTGAAC  
ATCCGAATGTTTCGACCATCAGAGGTGGACCCAATGCGTCACCGTGATTGGATAAGATGGCAGTGTGAAAGGG  
ATTTTGAGGATATTGTTAGTCTAGTGCAGTCTAACTATGCTGTAGACAGTGATGGAAAAAGTTTTACAAGGGC  
TATTAGGGTTTGGACGTCATCCTTTGTTACTGAAATGTATGATTCGCCCATGGACTTGCTTTCAGACAGTATGT  
TGGATGCTTTGAGAGACTTTGAGTCATTG

>trans\_c\_2732 XM\_002324364|Populus trichocarpa bile acid:Na<sup>+</sup> symporter family protein, mRNA

TTCAAGTTCAATCACCGGCCCTACATTTGGAAAATTTGCAAAAATCAGATTGAAATGGCCCGTGAGTGAATTA  
CAAGTGGGGTTCTCTCGATTCTTACCTCGCAAACATTATCTTCAATTCTTTCCCTACTGGGTAAGAATCTAAA  
ATCTCAAACCCCTTTTACAAAAACACTTCCTCCTCTATTGGATTCAGTTAACAGCTACTGCTACAATGGCGTCA  
ATCTCAAATTCGCTTTCAATGATTGTAGTATCATGCGATTTGATGCTCTCTACAACCGAACTTCCACTTCTCA  
GCTGGAAAGTTTCAATCCCATCTGGACTTTAGGGGAAAGTTGTGTTTATCTGATAGTGGGAGAAGACGTTTAG  
TGGTGGCTCAGTCTATGCTGCTTAAACCTCTGTTTCTTCTGCTTCTCCTGTGCAATTGGAGTCACGTCAAGGA  
AACTCAAATTTTGTGAAAGCTGCTAGTGATGTATCTGGAGAAATCGTCCCTGGTGATTCTCCTGATGGAATG  
AGCACGTATGAACGAGTTATTGAACTTTAACACACTTTTTCTGTTTGGGTTATCCTTGAACCATATAGG  
CATCTACAAACCCGCTGCAGTAACTTGGTTGGAGACTGACCTTTTTACTGTGGGATTGGGTTTTCTTATGCTTTC  
AATGGGATTGACACTGACGTTTGGAGATTTAGGCGTTGTTTAAAGAAATCCATGGACTGTTGGTGTGATT

CTTGCTCAATACTTGATTAAGCCTATGCTTGGCTTTATCATTGCCATGACTCTCAAACGTCTGCTCCTCTTGCA  
ACTGGTCTTATTTTGGTCTCATGCTGCCCTGGGGGACAGGCATCAAATGTTGCCACTTATATATCTAAAAGGAA  
ATGGTGCACTTTCCGTTCTCATG

>trans\_c\_2733 NM\_111605|Arabidopsis thaliana nuclear transport factor 2 (NTF2) family protein /  
RNA recognition motif (RRM)-containing protein (AT3G07250) mRNA, complete cds

CCATTCAAGAATCGGAGAGGTAATTTTACGAACAATGTCGACCTTAACAAACCAGATCCTCCTCTGCAGATTTT  
ATATCCTTATTCCTCGTTGCAATACGTTCCGTTTTTCAATGGCTATGGCTATGCCTACCCCTGTCTTGTCCGTAC  
TGGCCCCCGATGAGTCTCCGGTGGGTTGCCGATTGTTTCTGATGATGGGGTTTGAATAAGAAATCTGGGT  
CCTGTGGATCTTCCCCAGTTTGTAGTTCCTCTGTTGTTTCTGATAATCATCACCATAGTTCTTCATCTCTTGAAGG  
TGGTTGTAGCAATTCAAGTAATTCATCAATATCTATGAAGCATGTTAAACCAAAGCCTTGTAATAAGAAATTTG  
TTGAAGATAAATCCTCTCAAGTGAAAAAATCTTCCTCATCTTCAATGGAGAATGGGAAACCTCCAAAGCCTCAA  
ATCCAAACCCAGAATAATGTGGCAAGTTTTGAGCAAATGCCTTGTGTTTCAACAACAGGGATTGGTCCTAATG  
GTACCAAAATCGTAACTACTGGCTTCTGTATCGATACTCAAACCTGGAGGTTAGTATTTTGTGTGTCTGCCAT  
GGACGATCCTTTTCGCCAGCCGAGTTCGTTAAGCACGGTGGCGGCGGAGAAGTTTCTCACCCTTTGAAACACA  
TACTGTTCTTCCACCTAATGGATTTTCCCTTCTTCAATCAGATGAAACTTCATAGATTTTGTAGCTTAACATTG  
TTTGTAGAGATCTGGCAATGTGGCCGACGATTTTGATCCGGTAATATTTGCATTTGTAATCAGTGGGATTATT  
AAAGGGGGGGAAATTTTAAATCCCTGTTTAACTAAATATTAATAAGACAGCCACATTAACGCGCCTTGAC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2734 S74161|sucrolytic enzyme/ferredoxin homolog [Solanum tuberosum=potatoes, cv.  
Cara, leaf, mRNA, 1332 nt]

AAGAACGCGAAGACATCCAATCCCCTCTCCTTCCGCGCTCCACTCACTCTCTCTTCATTGCCATTCTCCACATTCT  
TTGTTTCTCTTCTCAATCTCCACCTCTTTTTCTCCATGGCCTCCGACAACCTTCCCTCCGTTTCCGGCGCCGCCG  
ATGACGACAACTATGGATTCCGTCTGTGAGGAGATGTATCAGAGCAACCTTGCCGGCACTGTCAGCGCCTATGA  
TCGCCATGTATTTCTCTGCTACAAAACCTCTGAGGCCTGGCCCTCGCATCTCGAATCTTCTGATTGCGACCTTCT  
CCCTAAGCTCCTCTCTGCCGCTCTCAAAGCGCGCAAGGATGATATCTCTCTCAAGACGAAGCTGACGATGTTCT  
CGAGACGTTATGAAACTGGATTTTCGGATGGAGATCTGTTGATTTTCCCGACATGATCAAATACAGTGGGTT  
GAAAGATTCAGATGTGGATGGCTTTGTTGATGATGTGCTTGTGAATAATAAACCTGGGCATCTGGAGTCCCA  
GAGGTTTTACCGGCTCGCACGTGTTTGTGTGTGTTTCATGCTAGTCGAGATCGGAGATGTGGTGTCTGTGGAC  
CCATTCTTGTCAAAGTTGGATGAAGAGATTGAATTACGAGGACTGAAGGATCAGGTTTATGTTAGTCCATG  
TTCACACATTGGAGGTCACAAGTATGCCGAAACTTGATCATATACCAACCTGGTACGGATGGGAAAACCTACC  
GGTCATTGGTATGGATATGTAATCCAGAAGATCTCTCTGAATTGTTGAACAGCACATTGCAAAGGGGCGAG  
GTCGTGGAAAGACTTTTGAGAAGGCAAATGGGCACAAATCCTGAGGAAGTCCAAAAGGAAGGTGAACAAAA  
GCTTCAAATGGAGAAGATCAAAGAAAAGCAA

>trans\_c\_2735 DQ997703|Populus trichocarpa CBL-interacting protein kinase 13 (CIPK13) mRNA,  
complete cds

AAAACCAATTGCAATGGCAATTTAGCAAAAGGCTGAAGAAAAGGACCCACCTTATCCAATCCCCTCCGCCC  
CCCTTCCCTTCTTCGTTTTCATTTTCTCCTTCTTTTCTCCAATTCTAAATCCCATCATTCTTTTCCCAATAATA  
CTCCATTTTAACTTTGCCGTAAGGGATCCTCAGCTTTTCTGGGTTGTGGAGAATGAACGTCAAAGCTCCGGC  
GACGAGGACTCGGGTTGGGAAGTACGAGCTCGGTAAAACCTCGGCGAGGGAACCTTTGCTAAGGTCAAGTT  
CGCAAAAAACGTGAGAATGGTGATTATGTGGCCATTAAGATTCTCGACCGGGAAAAAGTTCTTCGCCACCG  
GATGGTCGAACAGATTAAGAGAGATTTGACTCTCAAAGTGGTCAAGCATCCGAACGTCTGTAAGATTTAT



GAGGTTATGGCAAGCAAATCAAAGATCTACATTGTTCTTGAGTATGTGGATGGAGGCGAGCTTTTTGACAAGA  
TAGCTGCAAAGGGAAGGCTTAAAGAGGATGAGGCAAGGAAATATTTCCATCAACTTATTAATGCTGTAGATT  
ACTGCCATAGTAGAGGCGTGTACCATCGAGATCTGAAGCCTGAAAATCTTCTTCTGGATTACATGATGTTCTT  
AAAGTGTGAGATTTTGGATTGAGTGCATTTTCGCAGCAAGTACGAGGGGATGGTCTTCTTCACTGCCTGTG  
GGACCCCAAACACTACGTTGCTCCTGAGGTCCTCAATGATAAAGGTTATGATGGTACATCTTCTGATCTTTGGTCA  
TGCGGGGTCAATTCTCTTTGTTCTTATGGCTGGTTTCTTGCCTTTTGACGAGCCAAATCTAATGTGTTTGTATAGA  
AAAAATTCCTCCGACTAAAACGGAAGGGCG

>trans\_c\_2736 NM\_001065942 | *Oryza sativa* Japonica Group Os07g0295400 (Os07g0295400)  
mRNA, complete cds

GGCAAAAGGATTGGATGCCCTAGACTTCCTTCTTCTTAAACCCCAACATTGAAAATTCGAGGGAAGCTTCATC  
TCGTCAAGAACGAGTTCGAGTCTCGAATGGCAATTCGGTTTGAGACGTTAGGGTTTCTTTCGATCCTCCATT  
GCAAATACAATGTTCCGAGCTCAAACGTCCTCCTCCGCTTCGGCACTCCACAATCAACTCCGGCATTGTCAC  
TCCTCAATCAACTCCGGCATTGTCACACCGGCGTCCACTCCTGCCTTGGAACTCCATCGGCGTCTCCTGCATT  
TGGCAATCTTCTCGACTCCTGCCTTCGGAATCCATCTACGTCGTCGTTTGTACCGGCTTCGGCTCCTCTCT  
TTTCTCTACTCCATTCTTCTCAGCCTTCACAACAGCAGCAGCAGTTCAGCAATCGACGCTGTTCCGCAATC  
ATCCGCTACAGGATTCGGTTTCCAGACTCCGTTTGCAGCGCCTCAGTCCACTCCATTTCCAAATGCTCAACTGA  
CCACTCAGATGGCCCCGGTCGCACCGCTTCCTTCTCCCTGGCAGATCGAGATATTCAAGCAATTGTTGAGGCT  
TACAAGGACGACGCAGGAAACCTAAGTATGCTTCAAGCATTGTTGTTCAAGTGTAACTGATCCTCAGTATA  
GGGCGAAGCCTCCTGGTGTATCGGATATAATGTGGGCTGAGGCAATGGCAAAGCTCGAAGGCATGGAAAGT  
GCTGATAGAGAGCGATTGTGGCCGAGCTTGTTCAGGTTTAAAGGATTTATCTCAGCGCTTGAAGATTCAAG  
ATGAAGTCATTCTCTCTGATTCTGAGAGACTACGCATGACCCAAAGCAATGTCAAAATGCTTCAGAGGCATTTT  
TTAGCCGATACTCTACCTTGGGTACAAAG

>trans\_c\_2737 NM\_124697 | *Arabidopsis thaliana* PTB2 (POLYPYRIMIDINE TRACT-BINDING PROTEIN  
2); RNA binding / nucleic acid binding / nucleotide binding (PTB2) mRNA, complete cds

ATATATTTCAATCGTTTTAGATTATGCTTACAGAAAAGCCCATCGAAATCTTCTCCCTTTCAGCTCTCCGTGAA  
ACCCTAACTTCCATATCCTCACCAATTCCTTGCTTTCCTCAGGGTTTATCTTTAATAATCTCAGTGTTCCTGTA  
AGTTGGGCGAAATGGCATCAGTTTCTAGTCAGCCACAATTCCGTTACACCCAACCAACCGTCAAAGGTTCTCCAC  
TTGAGGAATTTACCTTGGAATGTACCGAGGAGGAACTCATTGAACTGGGAAAGCCATTTGGAAAAGTCGTG  
AATACAAAATGTAATGTTGGAGCAAACAGAAATCAAGCTTTTATTGAGTTTGCAGACATAAATCAAGCTATTG  
CAATGATATCATATTATGCATCTTCTCTGAGCCTGCTCAAGTTAGAGGAAAACTGTCTATCTGCAGTATTCTA  
ACCGGCAAGAAATTGTGAACAATAAAACAACAGCTGATGTTCTGGAAATGTGCTTTTAGTAACAATTGAGGG  
CACTGATGCACGCCTTGTGAGCATTGATGTTTTGCACTTGGTTTTTCTGCCTTTGGATTGTGCATAAGATTAC  
TACCTTCGAGAAAAACAGCTGGATTTCAAGCGTTGGTGCAATTTTCGGATGCGGAGACTGCCTCATCTGCTAAG  
AATGCCTTGGATGGGAGAAGCATCCCTAGGTATTGCTTCCGGATCATGTTGGACCATGTTCCCTTAGAATCAC  
TACTCTGCCATACTGATTTGACTGTGAAATTTAGAGCCATCGAAGCAGGGACTACACTAATCCTTATCTTCC  
TGTTGCTCCATCGGCCATAGATGGAAGTGGTCAGTCACCTTGCAGTTCACCGTGGGTTTGGATGGAAAGAAA  
CTCGAATCAGAGAGTAATGTTCTTCT

>trans\_c\_2738 NM\_001051542 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0882300 (Os01g0882300)  
mRNA, complete cds

ATAGTCGGAGAGTAGTCTTTATTTTGGTAAAACCAAATCAATGATTTGTTTAGATCTCTATTCAATTCATTCAT  
TCTCTCCCTCTTTTCTTTTCGATCTAAGTAATCTCCTCCCTCTCTCCCTGTTGTGTTCAACACCAGTCTCAAAGC

GCCGACAATTTTTCTCCAAACATTTACCTACGATCTGTGTTTCTCTCCCTCAACATCCCACATTAATTCCCTTTC  
CACTTCCCAACTCACTCCCTCCCATTCTGGGTCCTCTTCTCAATTCTGCTTTCATTCTTATCTTATGATAT  
GGTTTCTTAACTCCAACCTAGGGTTTCTCTGCCATGGCAACCACTCAAACCTCTAGCTGGCGGGAGGGCAT  
GTCCTCTGATAATATTAAGGGCTTGGTTCTTGCTCTTCTCCAGTTTTTTTATTGGTGCTAGCTTCATTGTTAAG  
AAAAAGGGCTTGAAGAAAGCCGGCGCTTCTGGAGTCAGAGCGGGGGTTGGAGGCTATTCTTACCTATACGAG  
CCTCTTGGTGGGTAGGCATGATTACAATGATTGTTGGAGAAATTGCTAATTTTGAGCTTACGCATTGCTCC  
AGCTATACTAGTTACCCCACTTGGTGCTCTCAGCATAATTATCAGTGCACTGCTTGCACATATTATATTGCGGG  
AGAGGTTGCATATTTTGAATTCTTGGCTGTGTTCTGTGTGTAGTGGGTTCCACAACCACTTGCCTCCATGCT  
CCTCAAGAACGTGAAATCGAATCTGTAAGTGTGGCAAATGGCCATGGAGCCTGCCTTTTTATTGTATG  
CAGCATCGGTTATTACAGCTGTGTTTATACTTATATTCCACTTTATACCACAATATGGCCAGACTCACATTATGG  
TTTACATTGGTGTATGT

>trans\_c\_2739 AY054655|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AGGTTATTTTTGCAAAACAAGGTCGATTGCTCAGTGTTTCTTCGGTCTTGAGCATGAGCCACAAGAAGAGCTC  
CAAAATTCAGGCTATCTACGACCTTTGTAAGAAGAGTTTAACTCCCGCCAACTCTCCACTTTCTTCTCAAACAT  
CAAGAATCTATGTACCTTTTGGACACGGTTGGCGCGGGGGATGTTGGGCTTAAAGAAGAGAATGTTGATGA  
CGACCGAGGGCATGGGCTTTTGGACTGAGCCAATTGAATAGGATAGCTCGATGGGCTCAACCAATTACATAT  
ATTGACATATGTGAATGTGAAAATTTTACTATATGTATATTCTGCTTTCAACTTCTTCCGTCAATCCGCTTCACG  
ACCATCCTGGGATGACTGTGTTTACGCAAAGTTCTCTATGGTTCTTTCATGTCAAAGCCTATGACTGGGTTGAA  
CCTCCCTTCATTCAGGAAAGCAAGGGCTCCCCATATTTTTCAGCAAGGTTGGCTAAGTTAGCAGTTGATAAAGT  
TCTAACTGCATCAAGTGCAACGTGAGTTTTGTACCCAAAGGCTGGAGGTAATATACATTGTTTCACTGCGGTTT  
CGCCTTGTGCTGTGCTTGTGTTCTTTCACCTCCTTATAACGAGGATAAAGGAAGAAGATGTACATACTACCAC  
GACTACCTTATTCACTATTTCTTCAGATACCAAACCTCTATCTAAACGATGAAGAAGTAGAAGATCATGCCTG  
GCTTGCAAAAATCGAGACCCCTGATGATCTATATATGCGACCTGGGATGTATGTTGGTCCCACTATTCAAATTT  
AGGTGTCAAATAATCCGGGATTATTGAGGTTCTTCCACGATCTACCAGGAAAGCTGCTTCTACCCATAGTTTTA  
CTTACTAGATTAGCTCTTGAGAGGAA

>trans\_c\_2740 AL161576|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 72

CAAACAGGGAGCTACCTTTCTTATTGCAAGGAATCTAATAAGATTATCACTATTAACCAATCTGAGGATAGAAT  
AAACTGCACCGATGTCAGTGGAATGGGAACAGCAAAAGATTCTGTTTCGTCGTTGGATGAGGAACACGTAAT  
AAGAAAAAGTAGCATGCTTCTGATCCCAATGTTTCAAACCTTGAAGACAGGCATTCTTCTCAAGTCCAAATCA  
TTGAAGGTACAACAAGCATGAATAAGGGCTCGAATTCTGCCATTCAACAAGGGACTAAATCCACACCACTTGT  
TAGCAGCTCCGAGGCTGGATTGCCAGTTACTCCTTGCAAAATGGAAATACTCAAGGATGTTCTCGGAAGGAGT  
GGCCGGTCGAAATCCTGCACCAAGGATCGAGATAATAAGGGATCTGGAGGAGAGGAACTCCGAAATGGCAG  
CACATCTAAGAAGAGAAATGCAGAGAGGCAAGATGTGGATTGTAAGTGGAAACGGTATTTCCGATAAGGATTT  
CGAGTATTACGTAAAGTTGATTAGATGGCTAGAATGCGAAGGACACATAGAGAAGAAGTTCAGACAGAAATT  
CTTAACTTGGTATAGCTTGAGAGCGACAACACAAGAAGTTAGGATAGTGAAGGCCTTTGTTGATAACTTCATT  
GAAGATCCATCAGCTCTTGCCGAGCAACTGTGGATACGTTTTCGGAATGCATTTCAAGCAAGAAAATATGTG  
CTGTGCCTTCTGGATTTTGTATGAAGCTTTGGCATTGATCATCGTCTCGAAAACCAACAAATTTAACAAAAGTC  
CGAGATTGGAAATTCTATCATTCGTAGGCATTCTTAGATACCCCTTTTTTTCTCTATTTAAATTGTCATCAATT  
TGAAATGGGCATCATCTAAGCTTTTTATTAGCATTT

>trans\_c\_2741 Novel Gene

>trans\_c\_2742 NM\_113458|Arabidopsis thaliana calcium ion binding (AT3G25600) mRNA, complete cds

>trans\_c\_2743 XM\_002894323|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata dynein light chain type 1 family protein, mRNA

AATTTCAAAAGATTCCATCACATTGGAAGAGGGGCTTCCAGAGGCTTTCCTTGATATAATCATTGTCCATT  
 ACTTCCTTCATTCGTGTTTCTTGTTGTTTATACCTTGGAAGAAGAAGCACTTGAGTTTGGGATAATCTTTTC  
 TGGGTTTTGAAGATAAGACTCAAAGAGATCTCCGAGAGCCAATCCCTACCAGTTTTCTTTTTCAGCAAAGG  
 GGAAAGGATGTTGGAAGGTAAAGCTTTGGTACAGGATACAGATATGCCTGGCAAGATGCAGATCCAAGCCAT  
 GGACGCTGCTTCTAAAGCTCTGGATCTCTATGATGTTTTGACTGCAAATCCATTGCTGCCACATAAAAAAGG  
 ACTTCGACAACAAATATGGAAGCGGATGGCAATGTGTGGTTGGTTCAAATTTGGTTGTTTCTTCACCCACTCC  
 AAGGGGTCTTTCATCTACTTCAAACCTGGAGACCCTCAACTTTCTCATCTTCAAAGGGGTGACTTCTTCGGCCCC  
 ATGATTTTTAGTTGTGTTTTCTTAAATTTGAATCTCTAGAGAGTTTGAGACGCAGAAACAATCGCTTTCCTTTC  
 CTGTGGCTACGTCAATTCGATTGAAAGGGTAAGGTCGAATTGAAGAAGCGTAAGGGAGATGGTAGGAAACG  
 TACAAATTGACATTGTGGAATTGTTGGATGTTTATGTTCAAAAAGCTTTAATGCTTTTGTGGGTATACTATGT  
 AAATATTGAAATCAGGGGAGACGGTCTTAATCCTTTTCACGTATTTTCATTGCCCTTTGCTTCGTTTTCTATT

TCGTAAAGATTGGCTAATTATTGGATAAAGAAAATCAATTACAGAAAATCTCCTTGTTGATTGAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2744 AF452450|Glycine max adenosine 5'-phosphosulfate reductase mRNA, complete cds

ATATGGAACCTCTTGCGGACCATGAATGTGCCTGTCAACTCTTGCATTCTCAAGGATATGTCTCAATTGGATG  
TGAGCCTTGACAAGGCCTGTTCTTCCAGGGCAACATGAAAGAGAAGAAAGATGGTGGTGGGAGGATTCCAA  
GGCCAAGGAATGCGGTCTTCACAAAGGAAACCTTAAACAGGGAGATGTTCCCCAGTTGAATGGCAATGGAAA  
TGAAATCCCCCTGTTAATGACATCTTCATCTCCAAGATTTGGTGAACCTGAACAGAACAGGAATGGAAAAT  
TGCCAAGGCTGGATAACAGGAAAGAACCGTGGCTTGTGTTCTTTACGCACCTTGGTGCCAATTCTGTCAGGC  
TATGGAAGGGTCATATGTTGAATTGGCTGAGAAGTTAGCAGGAAGCGGAGTGAAAGTTGGGAAGTTCAGAG  
CTGACGGTGAGCAGAAGCAATTCGCCAAACAAGAGCTGCAGTTAGGCTCATTCCCCACAATACTCTTCTTCCCC  
AAACTCATCTAAAGCAATCAAATACCCATCTGAGAAGAGGGATGTTGAGTCGTTGATGGCCTTTGTGAATG  
CCCTACGTTGAAGCAAAGTTCAAGTCCTGAATATTCTCAATCACACTCGGCTGCGCCATCTATGAAGCTAAAT  
CTCCGGCAGAGACTCCAATCTTTGTTAGATTGGAAGATGAGATTAATAAAGCTTGGGCATGCTTTTTCAA  
GCCAGAGAGCGAGCATTCGGTCATGAAAAATAGGATTTTGTTCGTCATTTGTGATATAGCAGATGTATATATA  
CCAGTTTTTCCCGTAGAGTTTTGGTTTGTACTAATTAACGTTTGTGCAAAGATGGGATAGAACGAGGAACCA  
TTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2745 NM\_001058427|Oryza sativa Japonica Group Os03g0848300 (Os03g0848300)  
mRNA, complete cds

ACTTTTAATTAAGTTCTTCGAGTCTTCTTCTCTAATTTCTTTGCTTCTCCGGCGTCGGAGTTTTGGAGTTT  
CGGCGGCACTGTGCCAACAATTTCTACTCTCACCAGTTCAGTGCACGATCCCCCTGTTTTCTCCATCCAAGTT  
CTCACTTCAGGGCGCCAATCTTATCTCCCAAACACTCTCTCCAATTCAGAAATGGCAACTTCTTTACGCTTG  
TATTTGACGTGCATACGGAACACACTTGAGGCCGCCATGTGCCTTCAGAATTTCTTGTCAAGAAGTTGAAA  
GACACAACAAGCCGGAAGTTGAACTAAAGACCAGCTCAGAACTTCTTCTCAATCCTATCTTAATATGTAGAAAT  
GAGTCAGAGAAGTGTTTGATTGAGACATCTATAAACTCTCTCCGCATCAGTCTCAAGGTTAAGCAGACAGACG  
AACTAGAGAATATCCTAACTAAAAAGTTCTTCGATTTCTGTCAATGAGGGCAGAAGCTTTCAGGTGTTGAG  
AAGAAAACCTGTACAGGGATACGACATTAGCTTTCTCATAACGAACTATCAATGTGAGGACATGCAGAAACAA  
AAACTCATTGATTTTATTGTACAGTTTATGGAGGATATTGATAAAGAGATTAGTGAACCTTAAATGTCCGTGAA  
CACTCGAGGAAGGCTTGAGCAACCGAGTTTCTAAAGCAATTCATATGATGTCTCTTTTCCATCTAANGCCTT  
CAAAGATTTTCAAACCTTTCGCGAGGAGCTTTGACGAGCGAGTGGGAGACCGACGAGAGTCTCGGTCAATCC  
ACCCTATTATTGTGAAATTATTAGAGATTTAGACTTTTCTGGTCGTCTAAAAATAAGATGTGTGTCCATTGGAT  
AGGGTTATTAATTATTTTGATCATTTT

>trans\_c\_2746 X61113|N.sylvestris mRNA for chloroplast 29kD A ribonucleoprotein

AACCTTATCTCAAAAACCTCGGAAGCCATGTCTGCCTCTGCGGCTTCTCTCACGCTCTCATCCCTAACCCCTCAAAA  
CTCTATCTTTGTCTAACCCATAAATCAAACCTCTCTCTCAATCCTTCTTCTCCATTGCCTTCTCAATCCTATTT  
CCATTTCTTCTTTGTTCTTCTCTCATAGGGTTTCTTCTCCTTTCTCTCCCGCTTTGTTGAAATGTCGCCGCTC  
TCATCCGATTACGACCAGGAAGAAGACACTCTTGAGGCCGATGGAGACGACTCCGGCTACGCTCCTGACCTCA  
AACTGTTGTCGGAAATCTTCTTTCAAGTGTGATAGTGCTCAACTCGCCGGCTTATTCGAAAGCGCCGGACAA  
GTTGAAAGAGTCGAGGTAATTTATGACAAGACGACGGGAAAGAGCAGGGGATTTGGCTTTGTTACAATGTGCG  
ACTGTTGATGAGGTTGAAGCAGCTGCTCAACAATTTAATGGCTATGAACTCGATGGGAGATCACTAAGGGTA  
AACTATGGACCTCCACCGAAAAGGGACGATTCCCTTTTCAAGAGTTCTAGAAATGCTTCAAGATTTGACAACC  
GCAATCGGGTCCATGTGAGTAACCTTGCTTGGGGTGTGACGATCTTACACTTGAGAACTGTTTAGGGAACA

CGGAAATGTTTTGGAGGCAAAAGTAGTTTATGATCGTGATAGCGGAAGATCTAGGGGCTTCGGTTTCGTAAC  
ATATAATTCAGCGGAGGAAGTAAAAATGCCATTCAGTCCTTGAATGGAGTTGACTTGGTTGGAAGATCCATCC  
GAGTAACACAAGCCGAAGCAAAGCCGCCAAGGCGCCAGTTTTGAGTATCTGCAGCTTTTATTATAAGGAATT  
AACGTGGTTTGGTCTATAGAGGCGCGGCC

>trans\_c\_2747 AL161581|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 77

ATTACGTTATCGTCTCTTCCGTTTTGCCCTACACTATCCATTTCTCTCTCTTCGTTTCACCTACAATCCCACCGAT  
TATTCTTCCGTTTCTATCATAGAACTCATCAAATCCTCGGAATTTTCTCTCGTTTAGTAGTTTTGTTTGTTAATCT  
TTCATCTTCAATTTGTGCAGTACCCGAAACCTAATTTCTGTTGCCTTACCTTCGAATCTGTCGCAAATCTTTGA  
TCTATTAATCGAGAAATTTGCATCAGTTTCTTTTTTGTGTTTGTGTTGAAAATTTTGTGGCGATTATTGATT  
TATATATTTTTTTTCTTTTACTCTTCGTCGGACTTTGGGCGTTGTCTGGTTTCTGTTTCGCTGCCCGGAGATTGGT  
TTCGCCAATAAAATTTGTGCTTCGAGGAATTTTGAATCCGACCTTTGATTTTACGATTTTATTGTTTTGGT  
TGATCTGTTTTTCTTAATCTGAAAATGGTCGGTGGTGGAAGCAGGAGGGACGAGGGTCTTTGGTTATCAAC  
AACACCAATGTTTTGCAGCCCTTGAGACTCTTAGGAAGAAGAAGAAGTCTGACAAGGAACGCAAGAATAAA  
GGGTCATCTAAGTCTCAGTCGTCACGCTAAGGAACCTGAACCTCAAGTTTTTGGGCACCAGCTCCATTAAC  
TTCAAATCATGGGCTGATGTCGATGATGAAGATGATGACGATTACTATGCCACCACTGCTCCGCCCCAGGCT  
GTGTGGGGCTCCTCAGAGGCTCATGAGAGCAAGGAGAGGCCGAGCAATGCAGAGGAGAGTGAGAGTGATG  
ATGACATCCTCGATGAAGTTGATTATGAGCTTGAGGATGAACACGAACACGAGCATGAGCATGAGCATGAGC  
ATGAACCAGAGGGTCTGTGCA

>trans\_c\_2748 XM\_002308516|Populus trichocarpa glutaredoxin (PtrGrx10), mRNA

CAGTGTCCACTCTGTTTTTATAAAACCACTTCTCCTTCCATTCCAATTTCTCCACCCGTTGACATAACAACAA  
ATAACCCATTATTTCTCTCTGAATTTAACTTACATATTCTCTCCGGCGATGCAAGGCCTCCGACGCTGCTCCAAC  
GACCTCCTCCACCTCGACTTATCTCCCCACCCTCTACCACTCCCTCCCCTGCCTCTCTCTCCATCGACGTCGCCG  
AATCCGCCCACACCCGTATTCGCCGCCTCATCTCCGAACATCCCGTCATCATTTTCAGCCGTACTTCTTGCTGCA  
TGTGCCACGTCATGAAGAACTCCTCGCCACCATCGGCGTTACCCCCACCGTCATCGAATTAGAAGACGACGA  
GATCCACGCTCTCGCTTCTTCTCCTCCACCACCACCGCTACTCCCGCCGTCTTCATCGGTGGCGCCTTCTCGG  
CGGGCTTGAATCCCTCGTCGCTCTCCACCTCAGCGGTCATCTCGTTCCTAAGCTCGTCGAAGTAGGCGCTCTCT  
GGGTATGATCATAGTTGAAATTACTCAATTGCCCTTATTCTAAATTTATCCTTGTAATTTAAAAAGAAAAAA  
TCCCTCTTAATTAGAGGGATGGAGAGAACAAAAAAGAAATAATGGAGTTATCTAAGCTTGGTTTGGTGAAACT  
AATAATTAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAAAAGAAAAAATCTAGATGATGCCGGG  
AAAAAGTCCGGTGGGGTGGCGGCGAGTAGGGGTTTTAGAGGGTACTCGCGGGGAAAGGTATGAGACGTGG  
TCGGATGAGGATGAATGAAGTGAAGGAGTGAGTGGTGGTCCCTTATTAATTATAAGTAATCACAC  
CCGTTGAATGTGTAGACTTTTGTAATCTAT

>trans\_c\_2749 NM\_125258|Arabidopsis thaliana ROC7; peptidyl-prolyl cis-trans isomerase (ROC7)  
mRNA, complete cds

AAGGTTATTGTGAAGGTATTTTTCTTTTTCTTGAAGTGAGAATTTCCCGGCGAAATGGCTAAGACGGCGTCATT  
CATTTTATGTACCTTTCTGTACTAGGAGCCCTAACTCTCATCCAGGCAAAGAAGTGAAGGAGAATCTGAAA  
GAAGTGACTCACAAAGTTTATTTTCGATGTGGAAATTGACGGAAAAGCTGCTGGTCGTATTGAAATGGGTCTCT  
TTGGGAAGGCTGTTCTAAAACCGCTGAAAATTTCCGAGCATTATGCACCGGTGAGAAGGGTGTGGGCAGA  
GTGGAAAACCTCTACACTACAAGGGTAGTGATTCCACAGGATTATCCAGCTTCATGATTCAAGGAGGAGA  
CTTTACCCTCGGCGATGGAAGAGGTGGAGAATCAATCTATGGAGAGAAGTTCGCTGACGAGAATTTCAAGCT  
GAAGCATACTGGACCAGGCCTCCTATCTATGGCAAACGCTGGTCCAGACACCAATGGTTCACAATTTTTCATCA

CAACAGTGACAACTAGCTGGTTGGATGGTAGACACGTAGTATTTGGAAAGGTGCTGTCAGGAATGGACGTGG  
TTTATAAAATCGAAGCTGAGGGAAGGCAGAACGGAACACCTAAGAGCAAAGTTGTGATTGCCGACAGCGGC  
GAGCTCCCTCTATGATTTAATCGACAACAGGTCATCTTTTTTTTTTTCCTTAATCTTCTTTCTTTCTATC  
TAAGAGCAAAGGATTAGACATAGTATGCCCCATTATCATCCACTCGCTTTTCTTGATGTTCTGTTTATGGTAA  
AATTGGTGGTGGTGCACAACGGACCTCTTTTTATAGCGGTGGGTTTTGGTTTCTTCCCCTTCCCTTTAAAGT  
ATGTTTTGATCTCCCAATCTACATCATTGCG

>trans\_c\_2750 NM\_001057774|Oryza sativa Japonica Group Os03g0744700 (Os03g0744700)  
mRNA, complete cds

ATGGATTGTAATTGCCCGTCTTCTCAACTAAATTACGCCATATTCATTTCCCTCCATCTCCTCCCCCTCTGCATT  
TGATCTTCATCTGCATCTTCACCAGGTTTAATGTCCTGTCTTGAATCTGTTGAAGGAAATTCTATGATGGTTCA  
GTCATGTTGACGGTATATCCGCCGGGAGCTAACAGGAAATTTCTGGCATGTCTAGACTTTATCCTCTGTCTGA  
GGCATCTTATGCTAATTCCCTTAATTATAGTACCTCGGTATCTGTATGCCCTCTAAAGAGTTCTTGCAATACCAT  
TATACACAATCCCTCATCTTTTAAACGGTGTACTCAATTGAATACTCATTGTGTTTTGAACCGATCTTCATTCAG  
AAGATGCCTATGCCGCTCAGATAGCTCCCCACCTCCTTCGGATGATGAATATCGCTCTTCCCGCAATATAGCTA  
TCAGTTTGTTAGACGATATCGGAATTTGTGCGATCGAGGAGGAGGTGACAACTTAAAGGATTTTCATCAGTGC  
TGGGGTGAATGCATATGCACCTGGTTGTACTGATGAAGGATTAAGAAAAGAACTTATTGATATGAAGGAAGC  
TGGTCTTGAAATTGAAGTAATGCAAAGTTATGGTGGAAGTACTGGTTTGAAATCCAAGATTATCTCAGGGGAG  
ATTGAAGAATGCATTCTGTGGTTGAGTATTATTCATCACCATCTTGTGTACACCACAACCAACTGTAGTTAG  
ATGGTCATCAACACCTCCGTTTCGGATGAAATAAGGCTTCAGTGGAAGGCTTTTGTGCTCTCATTGCCAATG  
CATATTATGTTTCGAGGCATGGCATGGCTGCCTGTAAAACTTTACAACCTAGAACAAATGGCAGTAGTANGTCG  
AGCTGAGGAACCTTCCGTAGTTGCTA

>trans\_c\_2751 XM\_002313752|Populus trichocarpa phenylcoumaran benzylic ether reductase 3  
(PCBER3), mRNA

CCCACCGGTCAAAGCAAATATTTTTGAACAAAGGCACTCCACGGTAGTCCTCCGATCACCTATTTCTCCCTCGTT  
AACTCCTTACTCCGATGGCTCAGAAGGTTCTTATCATCGGTGGAAGTGGCTACATCGGAAAATTCATAGTACAA  
GCTAGCGCCAAAGCTGGTCATCCTACCTATGCATTGATCCGCAGGTCTTCCCTCGAAAGCCCCGCCAAGAATC  
GAATCCTCAATCATTTCAAAGCTTAGGTGTCAATTCCTCTTCGGCGATCTCTTTGACAATGAGAGTTTGGTTA  
AGGCGATTAAGCAGGTTGATGTGGTGATATCAACCCTTGGTGGCCATATGGTTCCCCATCAACATAAGATCCT  
ATCTGCTATCAAGCAAGCTGGCAATGTGAAGAGATTCTTTCCTTCTGAGTTCGGTAATGACGCGGATCATATC  
GATGCAGTGGAGCCAGCGAAATCGATGTATTCTGCAAAGGCTGAATTCGTAGGGCTGTTGAAGCTGAGGGA  
ATCCACATACATTTGTGGTATGCAATTTTTTCGATGGTTACTTTCTTAGCAACTTGTCTCAGCCGGATGCAAGC  
GTCCACCTAGAGACAAAGTCGTTATCTTAGGAGATGGAAGTCCCAAAGTCATTTACAACAAGGAAGAAGAC  
GTTGGAACGTACACAATCCGAGCGATAGATGATCCAAGAACCCTCAACAAAATCATGTACCTTAGGCCCCAG  
CCAACATCTACTCAACCAATGATCTCGTGTCTCTTTGGGAGAGAAAAATTGGCAAGAGTCTTAAAGAATCTAT  
GTACCAGAGGAGGAAGTATTGAAGAAAATCCGAGAGACTTCATATCCACTTAATATAGAGTTGGCACTATGTC  
ACACTGCTCAAGTGAAGGGATCTCAAATAA

>trans\_c\_2752 XM\_002307903|Populus trichocarpa aquaporin, MIP family, SIP subfamily, mRNA

ATTTACAAGAATTCCTCTTAATGATTCCAATGTAGTGTAACAAACATTGGGGATGTGTCAATGTCCAATCAAATT  
TGATTCACGGCCACCACATTGGAATCCGACAACATCGTCAACGGGATTATTGTGTTTCATACATTACTACGGTA  
ATCTTTGTCCAATCAAATCAAAGCCACCAATATTCCTTCATTTACCCTTCTCCTCACTCTTCATCGCTTCAAATT  
GATCAATCCGAGTGAAGAAACGGGTCGTAGGGAAGAACCCAGAAAGATTTCTTTTCAACGATGTCTTCTGG

GGCGGCTCGATTGCTTGTGTTGGATTTTGGCCTCTCTTTATGTGGTTATGGTCGGGGGTTTTGGTTAAGATCT  
TTGTTTTTGGGATATTGGGGTTCGGAGATGATCTGGTTAGCGAGGTTGTCAACGCTTCCTTTTCGATTCTCAAC  
ATGTTCTTCTTTGCGTTCCTGGTGAAAATTTCAAATGGGTCTGCTTATAATCCTCTTACCATCTTATCTGCTGCTT  
TTTCTGGGGATTTTCAGTAGATTCTTTTCGTTGTCGGTGCCAGAATCCCTGCTCAGGTAATGGGAGCTATTACT  
GCTGTTAGGCTGATTATCCATACATTTCCCGAAGCAGGACGAGGGCCTCGTTTGACCGTTGGCATCCATCACG  
GCGCTTTGACGGAAGGATTGTTAACATTTGCCATTGTATCTATCTCACTTGGACTTTCAAGGAAAATAGTTGGA  
AATTTCTTCATGAAGACTTGGATCTCAAGTTTATCCAAGTTAACTCTTCATATCCTCGGTTCCGACTTAACTGGT  
GGCTGTATGAACCCCGCATCTGTAATGGGATGGGCATATGCTCGTGGGGAACATATAACAACAGAACATATTC  
TTGTATACTGGATCGCTCCGATTC

>trans\_c\_2753 AF116752|Glycine max seed maturation protein PM23 (PM23) mRNA, partial cds

TAGAAGAAGTAGTCAACACAACCCAAGGTGAAGAAGAGGGAGACAAGAGAAGTGGTTGAGGTTGTGGCTCT  
ATTTGCCTATGGCAGCCTTCACCTCTTCTCTCTCGCTCCCTCTCCGTTTCAATCCCTTATCCCCTTCCTCTCCCGC  
CATTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCCCTCCACCAATTTACCTCCCGATTCTCTGCCCTAACCATCTCTTCTCCTCC  
TTGCACTCCGCTCCGACAATTTGATCATGCCAAAAGCTCCCTTTTTCATCTAAGAAATCAGTTCTTTTCATCTT  
TGATACAAGAGATAGAGCCGTTAGATGTAAGCTTAATTCAAAAAGATGTTCCACCTACTACTGTGGACGCTAT  
GAAAAGGACTATCTCAGGCATGCTGGGCTTACTTCCATCCGACCAATTTCAAGTTTTAGTTGAGGCTTTATGGG  
AACCAGTATCTAAGTTATTAGTTTTCTTCAATAATGACGGGGTACACATTGCGTAATGCTGAATACAGACTCTGC  
CTTGAAAGAAATCTTGACTTTGATGATGGAATAATGACAAACAAACGAATGATAATAGTCGGATTGATTAC  
ATGAAATGTTGCTTGATGGTGCAAATATAGGTAAAATTTTAGATGAAAACGAGTCTTCTTCCAAATGCGAGGA  
ATTGTTGGACAGTTCATCCGACAACATCAATATCCAAGGCATCGGTGAAATTTCTCCTGAAGTTCAACAGCATA  
TCCGTCAATTTACAGTTTCAATTATCTTCAATTAATAAGGAACTCCATGAGGTAAAGAGGAAAAGTGCAGCTCTT  
CAGATGCAACAGTTTGTGGCGAGGAGAAAACGATCTGTTGGACTATCTGAGATCATTACAGCCAGAAAAG  
GTGGCTGAGTTGTCTGAACCTACA

>trans\_c\_2754 Novel Gene

ATATAACTCGTTTCCTCAGCATCCCTCCGCTCCTGCCGAGCCTTCCAAGTTTTCTGCCGCCGCTTCCTGCGT  
CTCTTTTCAAACCTTGAGAGTTAAATATGAAGACCATTCTTTCATCCGAGTCTATGGATATCCCAGATGGGGTCA  
AAATCAAGGTGCATGCCAAGATCATCGAGGTGAAGGCCCTCGTGGTAAGCTTGTTGCAACTTTAAGCACCT  
TAATCTCGACTTTCAACTTATCACTGACGAGGCTACCGGCAAGAAGAAGCTCCGCATAGAGGCCTGGTTCGGG  
TCCAGGAAGACATCCGCTGCTATTAGAACCGCTCTCAGCCATGTTGAGAACCTTATCACTGGTGTCACTAAGG  
GCTACCGTTACAAGATGCGTTTCGTCTACGCTCACTTTCCCATCAATGCTAGTATCACAAATGGCAGCAAGTCT  
ATTGAGATTGCAACTTTCTTGGTGAAAAGAAGGTGAGAAAGGTGGATATGCTTGATGGAGTTTCCATTACCC  
GATCTGAAAAAGTGAAGGATGAGTTAGTTTTGGATGGAAATGACATTGAACCTGTGTCGCGGTCTTGTGCCCT  
TATAAACCAGAAATGTCATGTCAAGAACAAGGATATACGGAAGTTTCTTGATGGTATTTATGTCAGCGAAAAG  
GGAACCATAGTTGGAGCAGATGAGTGATCAATACAATTGTAGGTTATATCTGCACTTAGTTTCAAGAGTTTGT  
GATGTTTCTTTTTGTGTCCTATCTTGAAAATACATTACAGTTTTGTTTTATAACAGTTTTTTAGTTAAGTCACAA  
AAACAATGCTCAGTAACTCTTTTCACTTGATTTCTACTTTCGAATCTAATAATGATGATCTTTTAGGTCTAATGC  
GTGCATTGCATTAACATTATATTGATC

>trans\_c\_2755 EF218619|Camellia sinensis ATP sulfurylase (APS2) mRNA, complete cds

AGTTGCAAAAATCCCCCTCTGATTCTCATTTTCGGTCTCTTTTTCTCTCCACCTTTTACCTCTCCCATTTTCGTCC  
TTTTCCCTAATTAATCTCAAGCTTCGAAGCCTTGGTCTCCATCTCAGATGGCGTCCATGGCGACTCGTTTCACCA  
AGACCCCATCCCCATTTCAATTCTATTAGAGAACTTCTTACACCCATTTGGGCGCTCCGATTAAGGTCTCCATTG

CTACCTCCAAGTCGAAGAAGACCCATCTCCGGCTCCGGGTTTCTGCCGGTTTGATCGAACCGGACGGCGGGA  
GGCTGGTGGAGCTTCTTGTTGAGGAGCCCCTGAGGGGTTTGAAGAAGAAGGAAGCCTTATCCTTGCCAAGGA  
TCGAGCTTTCTAGCATTGATATTCAATGGGTTCATGTTCTCAGCGAAGGATGGGCCAGTCTCTTACCGGATTC  
ATGAGAGAATCCGAGTTCCTCAAACGCTTCATTTTAATTCCTCAGGCTTCCAGATGGGTCTGTGGCCAACAT  
GTCAGTGGCCATTGTTCTGGCCATTGACGATGCTCAAAGCACAGCATCGGGGACTCCACCAAGTGTGGCTCTC  
TTTGATTCTAAGAACAACCCCATCGCTGTTCTTAAGGATATTGAGATCTACAAGCACCTAAAGAAGAAAGGA  
TAGCTAGAACCTGGGGCACCACCGCCCCGGGGCTCCCTTATGTTGATCAATCTATAACCAATGCTGGTAATTG  
GCTGATCGGAGGTGACTTAGAGGTTATAGAGCCAAACAAGTACCATGATGGCCTTGAACGTTTCCGACAGTC  
ACCTGCAGAACTACGGGGAGGAATTTACCCGGCGAATGCAGATGCAGTGGTTGCATTCCACTTTCGAACCCA  
GTACATAACGGCCATGCATTACTAATGACTG

>trans\_c\_2756 AY450296|*Nicotiana plumbaginifolia* serine acetyltransferase (Sat1) mRNA, partial  
cds

TGGACTTCCTTCGGCGATATCATTATCCATTATCAAAATCAATCACCGGGTATTTCACTTTCGGGAAAATCTC  
TCATTTTTCTCAAGAAAATTTTCATTTCTCTCCCCATTATGAACCTTCCTTTATATAGACCTCTCTCTCGCCTC  
CACATGTCCTTCATCCCCATTTCTCTCTTTATTCTCCCTTTTCCCGACCTTCATCTCTCTCCCATGGCCGCCGC  
TTGTCTTCCCCTTCTCTCGACCCCTAATTCCTCTCTCAAAATCCTCAAATTCTGCCGACCCACTTTCTCCGATCATC  
TTTCTTCTTATCCATTTCCCCAAATCCCCAAAATACCCACGATTCTCTTCTCCCCCTTCTCTGACTCCGATCTC  
TGGTTCTTAATCCGTCAGGAAGCTTGTCCGATGTCGAACAAGAACCATTGTTGTCCAATATTACATCACTTCT  
ATTCTCACACATGCTTCCATGGACAAAGCCCTAGCCAACCATCTCTCCATTAAGCTCTCTAATTCTAGTCTTCCC  
AGTTGACTCTGTTTCAATTGTTTTCTGATGTTTTAACTGATGATGGTGGAGAGATTTTGCATGTGCGGTTAG  
GGATTTGAAAGCGGTTAAAGAAAGAGATCCGGCTTGTATTAGTTATGTGCAGTGTTTTCTGAATTATAAAGGG  
TTTTTAGCGGTACAATCGCATCGAATCGCTCATAAACTTTGGTCTGAAGGGAGGAAAGTTTGGCTATGTTGA  
TTCAGAACAGAGTATCTGAAGCTTTTGCTGTTGATATTATCCTGGTGCGAAAATTGGATGTGGGATTTTGCTT  
GATCATGCGACGGGCGTTGTTGTTGGCGAGACAGCGGTGATCAGAAACGATGTTTCGATTCATCACCATGTG  
ACATTGCGTGGTAC

>trans\_c\_2757 XM\_002319807|*Populus trichocarpa* type II peroxiredoxin (PtrcPrxIIb), mRNA

CACACAATTCAGACCCCTAACCCCTTCTTAGTTTTCTCACCTCTATCCATCGAAATCCACGTGAAATGGCTCC  
GATTGCTGTTGGAGATACATTGCCTGACGGCATGGTGGCTTACTTCGATGAAGAGGATCAGCTTCAACAATCC  
TCTATACTCTCTTGCCGCCGGCAAAAAGGTCGTTCTCTTTGGAGTACCCGGCGCTTTTACTCCCACTTGCAGT  
TTGAAGCATGTACCGGGGTTTATTGAGAATGGTGACGTGCTTAAGGCCAAGGGCATTGATGATATTCTACTAA  
TTAGCGTCAATGACCCCTTTGTGATGAAGGCATGGGCCAAGACTTACCCTGAGAACAAGCATGTCAAGTTCCT  
TGCAGACGGCTCTGCAGCATATACACACGCTCTTGGCCTGGAGCTCGATCTTTCAGAAAAGGGACTCGGCATT  
CGATCCAAACGTTTCTCTCTCTTAGTTGATGACCTCAAGGTCAAAGCGGCAAATGTGAGTCCAGTGGAGAAT  
TTACAGTCTCCGGAGCTGAGGACATCTCAAGGCTCTTTGATTGACTCCAATCTTCAATTGTATGTTTGGCCAT  
CTATATATTTTCTAGCTGATGAACCATTGTGATAACGAGCAAAGCTTATGTCGATCTTCTATCGAACTGTGGTTT  
TGTGAGGTTAATTAGATGTTTAGCGCTCCTTGCAGACGAATAATGAATACTTTTTTATGCACTTCTGGCTAGG  
TTCTTTTAATTGCTCTAAGATTCTGTGATGGTAGAGGATGTGTGTGTGGTGAAATTTGGGTATATGTCACGGAT  
GATGTCGTCCTGTTACCAGGAAAATGTGTTGATAAAGCTCAACATTTTGATGGTGATGACTTGGAATAAAGC  
AACTATTTTCTTTTAGTTATTAATC

>trans\_c\_2758 Novel Gene



ACGCTCGGGTTTCACTGTTTCCCGGGTCCACTGTTTCCCTCTGTACTCTAGACTTCAGCCTCTCCTTCATCTCTT  
TCAGGTTCTTTTCGTCTTCGAAACCTCCCAATTCCCAAATCCCATTCTCCATTGCAGCCAACTCTTGCTTAATTCG  
TCCACTTGATCGTCGAAAAAGCTCTCTGAGATGACGGAGGCCGCGATTTCGGAAGAAGCCTGGCATGGCTAGC  
GTCAAAGATATGCCGATCCTCCAAGACGGGCCACCGCCAGGTGGATTCCATCCGGTCCGCTACGCTCGCCGGA  
TTCCCACTAAAGGCCCTAGTGCCATGGCCATTTTCTTACTGCTTTTGGTGCATTCTCTTGGGGGATGTATCAG  
GTCGGCAAGGGCAATAAGATCCGAAGGGCGCTGAAAGAAGAAAAATATGCAGCCCGGCGAGCAATATTGCC  
TGTGCTTCAAGCCGAGGAAGATGAAAGATTTGTCAAAGAGTGGAAGAGTTACCTCGAATATGAGGCTGAAGT  
TATGAAGGATGTGCCTGGTTGGAAAGTTGGTGAAAGTGTTTCAACTCTGGAAAATGGATGCCTCCAGCAAC  
CGGTGAGCTACGACCCGAAGTCTGGTGATTTTGTTCAAACAGACTCATTTGTGGTTGACATGTAGTTTGGTTT  
TGTATTCTTGCAACTTATCCTCATATGGGTTTCTTGATTGCTGGTTCATGGCTCTCCTTAAAAAATAAAAGCA  
TGTCAAAATTTCTTCAAATGCTTTGCAAATACTACTGCTAAAATTGTCTTCTTTACTCGGCGAACAGCTCTTTCTA  
CTCATGTATCTCACTAAAAAGTTTCGGACTTGGAATTAGATATGAATTTATCTTCTTTTCTTTTCACTCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2759 NM\_122027|Arabidopsis thaliana nucleoporin-related (AT5G20200) mRNA,  
complete cds

TGAAGCCAGGAATCTGGCCGTAGAGTTAGATTCTCACGAAAAAGCGAATCAAGTAGATCAGATCTCTCCCC  
CCAGCTGAGCAATACAGGAAACACTATGTCCACGATTCTTCCAAAGGAGAGTGCTGGCAGAAATTCTGATGCT  
GCAAACCAATATCCTTCTGGTCTGAAGTTTAGATTTAGCAATGCTGAACCAAAACACCAGGGTGATGCAGGCT  
TAAATATTGGTCGCTCGTCGCCTAAGGTTGTTCCAAAACTGTTTCTGTTCCAGCTGTTGGAACCGCAGTGGG  
GACTCAAATTATGCCTTCTCATCTTTTGGTGTAACCTGTTTTTCCATCCATTACCATCAACAAGCCTGAGTC  
GAAATGGGCATTCTCCTCTGACAGTGGTTCGGCATTACTTTCCCTGTTTCCGGTGCATCCTCAGGAATGCTCT  
CAGAACCACCAACACCGTCCATCTTTCCATCAACAACAACCAGCCTTGGGGGAAGTCAGCCTCTATTACTGAA  
GCCTGAGGCTCCAGTTCCTTCATACAGCTTTGGCTCAAAGAAGTCCAGCCCTAGCCTTGTTTTCTATTCCCTTC  
AACAAACAACGATACAATCTGCACTGAAGCCTCAAATATAAAGCTCAGCTTTGGATCCAATGATAATACAAGA  
CTTTCCTTCAGTTCTGTTGGAAGATGCAGTTTGTGCTAACTGATTAGACTTGTCAGGTACAGTTTAAAGTTG  
AACATTGGGGGAAAGAACTTATGGCAAGTGCCTATTTCTTAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAACAAACA  
GGAAATTGCCAATTCAATCAAAATGACTACTTTTCTATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2760 AY124870|Arabidopsis thaliana AT4g01050/F2N1\_31 mRNA, complete cds

AATGGATTCAAAGCTGCTTTTGCTATTAAAGATGGCGCAGAAGGACCTCGTGGATGGACGAATAGTGGACTA  
CCATGGTTAACACCTAAGCCAAGTTTGAGTCTTGGCAGTCTAACAGATGCCATTGCTGGTGCATTCCGTGAGG  
ATTCTGAAGGTCTGCCTGCTGTTGCTACTGCTGTTGCTGCAGCAGCTACTGGAATAGGTTTATTGGCTTTTACT  
GAGATGGAAACAGTTCTCCAATTCTGGGTTGAGCTGCAATCATTGATTTGTGAGCAGGAACTTCTATATGC  
CGAGGATCGGAAGAAAACATTACAAGAAGTTGATGAGTTCTTTAATACAAAGGTGGCCCCACAAGATCTTGTC  
GACGAGTTGAAGGACATTGGAAAGGCTATATTACCTTTACCTGCCACTGAGAAGGCGCTACCTGCACCAGCA  
GAGGCAGCTGTGGAGGTTGCAACGTCCAGTGACACCGTACAGAAAGCAGAAGCTGTTGTGGAGCCTGCTCCC  
GAGACAAATTCGGTTGCTAAACAAGAAGTAAAGGCAGAATCACTGCCCAAAATCTCAAGGCCGCTTTCTCCAT  
ATCCTTCTTATCCAGATTTAGGCCTCCGACGTCTCCTACCCATCGCAGCCGTAATTCCATAATAATTTAGCTG  
GGAATTGCAGAGGCTATATTAGTGAGTAATTATGGTTGAGCTCCATATTTTTAGTGTTGAAAGAAGGTGTAG  
ATGACAGACTGAGTCAGTGCTCTTATTATAGTATTCACAAAAAGTATGCTGCTTTGCTTTGCTTTTCTATCAC  
AAGTCAATGAAATTGTAGTGTTATTCTGTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2761 XM\_002322156|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA908), mRNA

ATTGGTTTTTGGCTGTTGGATTCTTCTTCTCAGTTCTCTCGTGTTTTTCGATTTTTTACTTCGATTGCTACCGG  
GAGTCGTCGATTGGGCGGCGGGAAAGTGACGTTGGAAATGTCCGATGACATTCACGGCGGCGCTTCACTTCC  
ATCAGGTCCCGATGGTCGGAAACGCCGTGTGACCTACTTCTACGAGCCCACAATTGGCGATTACTATTACGGC  
CAAGGCCATCCGATGAAACCTCACCGTATCCGCATGGCCATAATCTCATCGTTCACTACGGTCTTCACCGTCG  
GATGGAGATCAACCGGCCATACCCTGCTGGTACTGAGGATATTGGAGGTTTTCACTCCGATGACTATGTCGAT  
TTCCTCGCCTCCGTCAGCCCGGAAACGCTGTCGGATCACGCTTCTCTCGCCATCTCAAGCGCTTTAATGTTGG  
CGAGGACTGCCCTATTTTTGATGGCTTATTTGGCTTCTGCCAAGCCTCTGCTGGAGGCTCCATTGGTGCTGCCG  
TCAAGCTCAATCGCGGCGATGCTGATATTGCTATCAATTGGGCTGGTGGACTTCATCATGCTAAGAAGTCTGA  
GGCCTCCGTTTCTGTTACGTCAATGATATTGTATTGGGTATTCTTGAGCTGCTGAAGTATCACAAGCGTGTAC  
TATATATTGACATTGATGTTTCATCATGGGGATGGCGTGGAGGAGGCATTTAACACTACTGACAGAGTAATGA  
CGGTTTCTTTTCATAAATTTGGGGATTTCTTTCCAGGGACTGGGCACATTAAGGATGTTGGAGTAGGGACTGG  
CCACTTATTCAAAAAGTTATGGAGGTGTATCAGCCAGATGCAGTAGTACTCCAGTGTGGAGCTGATTCAATTGT  
CTGGTGATAGGTTGGGGTGCTTTCACCTATC

>trans\_c\_2762 Novel Gene

ACAGTAGCTTCGCGCGCACAAATTCATCTTCTCCCTCGCATCTCTCCCTATCCATCTACTCTATTGTCTTCTCAAT  
TTGGAAGTCAGTAAACTTGTGCCCTGATTTTTTCTTCTTCTATGACTTCCAATGGCGGCTAAACCAGATCTTG  
GATGGCTCTACTCGATTGTGTATGCCGTCGCCCTTGAAAGGATCCACTTTTCTCGTAAAGTCGGCTTTCATAAG  
GATCCGGTCCGAGAGGGGCGAAGAACAAGCGGCAGTCTATTCCGCCTCTGAACGCGGCGTATTCCCTTTGA  
AGACATAGAAGGCATAGGAGGCATAAAAATTCAATTCCTCTTACTAGTTAGTAGTTATTTGTTATTTGTTCTTAT  
GATATTCTAGAATACATTTTCATATTTGATTATCTTTAATTGTTTCTGAGTTCATCCTTTGTCTTGAGATAATCCTT  
TTTAGGTGGGATCCTAACACTTATTCAGCTTGAGAAAAAATGGATTAACGAGATGCAGTGGATGTCGTAGA  
GGCGCTTACGTTGGGGTGTGGGTTGAATATCCTTTCGTAAGAGTCGGCATATGGGGCGCAAAAAACAACGA  
TCGACTGGTGACAGTAGACTTTTCTTAATTGAATTGGAGATAATTATTTAGTGCATTGACAGATAGTTGCCA  
CCATACTCGTGCAATTGAGTATTGCTGAGTCCCCATCTTAAATTAACAATACCGGATTTTTTTCAGAATCATGAT  
ACATGAGAAGAATTTTAGTGTTTCATATCTTACATTAATTTCTAGCTGTACTACCTTTTTGTCTATCTGTACTTGAG  
TGCTACTCAAGTGGGGTAATATTTCTAGTATTCCTTTTGGGAAATAGGTAGACTAATTTTGTCTACAGTCACTA  
CAACAAATATGATTTTCATGCA

>trans\_c\_2763 NM\_202010|Arabidopsis thaliana FUS5 (FUSCA 5); MAP kinase kinase (FUS5) mRNA, complete cds

TTGCGAGTAAAGACATCCACGAGAGGGAGAGGGAAAGCGGGAGCCAGCGAGCTAAGTACCAAAATAACGTA  
ACAACTTTTGGGAGTGTGCGCGCAAACTCACTGCTCCGAAGAACCCTAAGCCAACCCATTCAAATCAAATTT  
CTCAAGTTTCTTCCCAGATTTCTTCTGTTTATACTCATCTCCATGATCGAATTTCTTCTCATTTCTCCTTGATTT  
CAATCTCCCTTCTCGTTTCTATCTGTTTACCATTGCTTTTGTGCGTTTTTCTTTCCTCAAAAATGGATATTGAG  
CAGAAGCAAACCGAGTTCATCGATCACTTTGTAAAACAAGCTTCCTCTCTGAAAGGCTCTGCCCTTGGGTCCGT  
TGTTACTGACGCCACTTCTACCCCTCCCTCTTCGCCTTCTCTGAAATTCTTGCCGTTCCCAGCGTTGTCGAGCTA  
GAAGGAACTGAGCATTCTATATATCTTGACGTGCTGCGCTTATTTGCATATGGAACATGGAGTGATTACAAGA  
GTAATTCCAGCCGCTTCCCGAATTGAGCTCTGATCAAGCCCTCAAATAAGCAACTTACTGTCCTTACATTG  
GCTGAGACAAACAAGGTGTTGGCCTATGACCAACTAATGCAGGAATTAGATGTTACAAATGTACGAGAACTG  
GAGGATTTTCTTATTAATGAATGCATGTATGCGGGTATAGTCAGAGGGAAGTTGGATCAATTGCGAAGGTGCT  
TTGAGGTCCAATTTGCTGCCGGGAGAGATTTGAGACCGGGGCAACTTGAAACATGATACGAACACTATCAA

ATTGGTTGACTACATCAGACAATTTATTGGTCTCCATTCAAGAGAAAGATAAATGGGCCGATAATATGAGTGA  
ATTGGACAAGAACACCGAAAGGGATGTG

>trans\_c\_2764 Novel Gene

ACACCGGCGGCGGCTGTTGAACTCGGAGAGCATTTGTAATGGGGATCGATCTCGTAGCAGGAGGTAAGAG  
TAAGAAGACCAGGAGGGTTGCTCCCAAATCTGATGATATCTACCTAAAGTTACTCGTCAAGCTTTACCGCTTTC  
TTGTTTCGTGCAACTGGAAGCAATTTCAATGCTGTGATTCTCAAGCGCTTGTTTATGAGCAAGGTTAACAAGCCT  
CCACTTTCCCTCTCTCGGCTTATCCAGTTCATGAAAGGAAAGGAAAGTAAGATTGCTGTCGTTGTTGGGACTAT  
TACCAATGATATTGAGTCTATGAAGTTCAGCATTGAAAGTTGCAGCTTTGAGGTTCACTGAGACAGCAAGG  
GCAAGGATCGAAAAGGCTGGTGGGGAATGTTTGACATTTGACCAGCTTGCTTTGAGGGCTCCTCTGGGTGAG  
AACACGGTTCCTTCTTAGAGGTCCTAAGAATTCTCGAGAGGCAGTGAAGCATTTCGGTCCAGCACCTGGTGTGC  
CACACAGCCATTCCAAGCCATATGTGAGGTGCAAGGGAAGGAAGTTTGAGAGGGCTAGAGGAAAGAGAAAC  
AGCAGGGGATATAGGGTTTGATTTGATCTTTTACTTTTTTCCAAGCCTAATTCAATGCAAGTGTGTTATTTGCA  
AATTCAATATCCAAATTTTGCTAGATTTTAGTTGCATGTCAGTTATTCCATTTCTTACGGTTTTTCCCATAGTATT  
GTTGATTATGAATTCGATTAAACGTTATTCCGCGGGACTTCGCACAGTCTTTTTTTGCTTAGATTGTGTGATTA  
TCATTTTCTGTTCTGTTCAATTTGAGTATCTATAAACCATTTCTTTAAATCAAACAAGTAAGTTGTAAATTTGTT  
TGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2765 Novel Gene

GTTTCATTTTTGTTTTGCGTCTCATTGTGGAAAAATTAAGATGAACTATTTCTCCATTGAATTCCGCTATCTA  
ATTAATCTATGGCTTCTCTCAAATTCTCAAATCAACTCTCTCTTCTTCCATCTCTCACCCGAATTTTGGCTCT  
CAATCAACCCGCTTCTTCTGACTTTGATTCCCTACTCCTTCATGGACGTCGGAGGAGTTTGCCTGTTGCCTGC  
GTTTGTAGAAGGTTCAAGTTCCGCTGCGCTGCTAAAGATGCTGATAAGGAAAGCAATGGAGAAGAACCTCCA  
GAATCATTATTCATGAAGGAATTGAAGAAGAGAGGCATAACTCCCACTTCCTTGCTTGAGGATACTAACAACA  
GTGACTTTGGACTTGGTGGCGAGATGACTGGAGAAAACAGAGATTTCTCCCGTAGAAGTGCTGTTTCAACTGA  
AGTTAACAAGAGTCTATCCAATCAAAGGGAGCGTTCATGCAATTGAACAGTGAAGGCCTTGAGGGGTTGAT  
CCCTCGTGCTAACTTTTGCTAACAATTGGAGGAACGTTCTTCTTAGGATTCTGGCCGTTGATCATCATAACTG  
TTTCGTTCTTTTTTGTTTATATTTTTTTTCGGATCCTCTTTTATTACGATGGCAAAACGCCGATATCTCCTCCA  
CCGTATGTTGACCCATATGCTCTTTTAGAGGACGAGAGAATTTCAAAATAGCTCCTCCTGTAAATTGACTGCT  
GCACAATCCTAATTGGTTGGTTTTCTGCTACTCTGTTTTCTTTCCCAATATTTATTTCTATGATATGTAAATGAT  
TATTAGCTAGAATTTTGTGGTCTTGTCCTATTTTATTCTTAAAGTCTTAGTTTTTTTTTATAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2766 NM\_112617|Arabidopsis thaliana meprin and TRAF homology domain-containing  
protein / MATH domain-containing protein (AT3G17380) mRNA, complete cds

AAAGAAGAAGAAAAAAGAACCGAACATTAAGATTACTATGGATGATAACATGTCATACGATGAATCAATAAA  
AGATGAACGACAACACGAAATTACAATTAAATCGAGGAGGGTTGATCCACCACCTCATTATGCATTTCAAATT  
GATTCTTACTCAGTGCTGTCAGAAATAGAGATGAAGAAATGTGAATCAGGAGACTTTGAAGTTGATGGCTACA  
TGTGGAAATTAATTTTATATCCAAATGGAAATGGAGAAGTGGAAGATCATATTTCTCTCTTCTTGGCTATATCA  
ACTAATGATAATAATAATCTTCCTCTTGGTTGGGAAGTGAGGGTAATTTTCAGATTCTTTATATTTGATCAAATC  
AGAGATAACTATTTAACAATCCAAGATGGGAAAATGAGGAAATATTCTAAAATGAAAAGTGAACATGGATTC  
ACTCACTTGATTTCTCATAATGTTTTAGTAAAGCCTCCAATGGCTTCCTTGGAACAATAGTTGTACATTTGGA  
GTTGAAGTTTCTATACTTAAAGCCTCAAACAAGGGAGAGAGATTAACCATTTTATAGAGAGCCTCAACAAGACA  
CCTATTTTTGGACCTCATACTCATTTTCTGCTAAAACCAATCAATCTTATATCTCCGAACCCTTCAATGTCAAAGG

AAGAAAATGGAGAATGGAGATATACCCAAATGGTAATTCCTTGGGAAAGACTTCACATATATCTCTTTACTTG  
AAGTTGGATAATTCAGAGACCATTCTTTGGGGAAGAAATCTATGCAAATTTCTCCTTGGTGTTTATAACTTT  
TCAGCCAAAAATATATTGACAAATCATATGAACATTGGTTTAAAACCCAGGCCATGGCGATGGTTTTGATG  
AGTTCTTGTCTAGAAGAGAAAATAGTACT

>trans\_c\_2767 AB489995|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitBC mRNA for blue copper protein precursor, complete cds

CTTTTTACTCCCTTTCTCTATAAATTCCTTTAACAACTCATACTTCCTCAAATATAATTTAATTTCCCACACCT  
GATTCTATATTCATTATATTTTTGAGATCATATTTCTATCATCCATGGCCGGCGCCGGAGTTGCCTTTGTTTTGG  
GTCTGATTGCGGTGGTTTTTATTACCCCTGCCACCGCTCAGACGGTTCATATCGTCGGTGACAGCACCGGTTGG  
ACTGTTCCACCGAGCCCCACTTTCTATTCCGAATGGGCTGCTGGAAAGACCTTCCGCCTTGGCGAATCTATCCA  
ATTTAACTTTCCAACCAACGCCACGATGTACTTGAAATGAAAACAAAGGAGTCGTTTCGATGCATGTAATTTCA  
CCAATTCTGATAACGATATCGAGAGGACAGGTCCAGTGATAGAGAGACTCGACGAGCTCGGCATGCATTACT  
TTGTTTGACCGTTGGAACACATTGTTCCAGTGGTCAAAGTTAGCCATCAATGTCGTCTCTGCCACTGCCGGT  
GGTCCGATGTCGCCGGGCGGCCCGATGTCACCATCTTCACCATCACCTCCTTCATCGGTAATGCCACCACCGTC  
TCCTTCATCTCCAACGCACTTATGGCAACCTTCCTCTCACTTTCTTCGCCCTTCTTGTTATGACCTTCTTTAGA  
TACATATTATGGAGTTTTCTTAATTAATTACATTGTGAGAGTTTAATTTTGTGAGAGTTTGAGAGATATATTTA  
GTACTTTTAGTGAGATTGGATTTCATTTGTGTCTTGTCTTCCAATTTTTTAATTCTAGTTTTGTCTCCAATAAA  
GTACTTTTACATTTACTCCTGTATTTATATAAGTTGAATTATAATAATTTAGCTTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2768 GQ377242|Populus trichocarpa phi class glutathione transferase GSTF2 mRNA, complete cds

GCATAGTCCATTTGCTTCCGTTTCTTTGTTTCCATACCAACCCAACCAAATCCAATGGCTACGCCGGTGAAAG  
TGACGGACCACCGTTGTCCACCGCCGTCTCCAGAGTACTTGCCTGTCTTCTCGAGAAGGACGTCCAGTTTCAG  
CTCTTACCGGTGAACATGGCGAAAGGAGAACACAAGAGCCCGGAATATCTCAAGATTCAGCCATTCGGTCAA  
GTCCCTGCATTCCAAGACGAAAGCATCTCCCTCTTGAATCTAGAGCAATCTGCCGCTACATTTGCGAGAAACA  
CGCGGAGAAGGGGAATAAAGGACTGTACGGAAGTGGATCAGTTAGGGAAAGCTTCGATCGAACAATGGATTG  
AAGCGGAGGGGCGAAGCTTCAATCCCAGGAGCTCGATTCTTGTTCCTTCACTGGCGTTTGCGCCGAGGATGAA  
GTTGCCGAGGATGAGAAGGCGATTAAGCAAACGAGGAGAAGCTGTGGAAGGTGCTTGATGTGTACGAGC  
AGAGACTGGGAGAGAGTTCGATATTTGGCCGGAGATGAGTTCTCGTTGGCTGATCTTTCTCATTTGCCTAACGG  
GCATTATCTGGTGAATAATGCGGACAGGGCGGAGCTTTTACGTCGAGGAAGAAGCTGGAGCGGTGGTGGA  
ATGAAATATCCAGCAGGGAATCTTGGAAGGAGGTGGTTGAATTGCAGAACAAGGCATCTTCTTGAGTGCATT  
TTGATGGAGTAATTGTGCCATCTGAGGGTTTGAATCTTGTGGGACAAATGACATTTGAATAAGCTTCGTTAC  
GTTCTTCATGTTTCCTTCACCCAATATTTGAATATGGTCCTGGATTAATCTTTTGAATAAAATTGATGACCTA  
AAAGTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2769 AY039557|Arabidopsis thaliana AT5g35570/K2K18\_1 mRNA, complete cds

ATACCAATGAAAAATGAAGCTTNGTTCATAAAAGCATACAAGTCAATACTATACATTAGCATCAACCTGGTGT  
GATTCATGGTCTCAATGACTGATCCAAACCAACCACTCATGCAGATCTTAAGAATACCCAGAAACAAGCAGAG  
ACCACAAAACATCATGAACATCAAATGCCCAATTTCTTTTTTCCCTTAGCCTAAAGTCCAGAGAAACAAAAC  
CAGGATTTAACGAACCTTTAGCAGCAACAACCCATGAGTTCTCTGGCTAACATGTGGAGCTGTCTCCGTTCC  
AAAGCAGATTCAAAGCCATCCACTTGAACCGTGCTTCTGAAAGCTTCTGATCTGGGTGAGTTCGAGGAAGAT  
CGATCTCATGGTGGCTACTGAGCCCATTATTGTTGAGGATGTTTGAATTAGTGCTACTATGAGTGTCACTGTTG

TTGTTGTTGTTACGCTTGAAGGAGTGTGCACGACGAGTTATAGGTCCCGAGAACCGGGGGCTGTTGACCCTTT  
GAGAAACGCCATCGTTGCTGTTGTGGTGGCGCTGTGGAACCATGATCTTTGCCACCACACCAGTTAATGTTGA  
TTTTAGTTAAGATATCGCCATCAAAAAATAAGACCTAAATTTAAAGTCTCTTGCTTGCAAGTCTCATTCAACACAA  
CTGTTCAAAACTGGCAAATCCCATTATAGATGGTCTGATCATCAGCAAGATTTAGGTGAGGGAGGGAGACA  
AAATCAAATCCTTTCTCTCTTTAGCGATAGATATAAATATGCCTTGGATCGTCGACAAATATATGAATGACGA  
GGGTATCACAAAGAGAAAAATGGTTTAGGAACACTAATGGAGGATGCACACAGTCTAGATTTTGGAGTGTGGG  
GTATGAAGAATGGACTCAACTCAAGAGTCAGA

>trans\_c\_2770 NM\_179290|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related  
(AT1G09160) mRNA, complete cds

TCTCTCTTCATCTCTCTCCCAATCAAATCACTCAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACTGTGGGTTTCTCTCTTT  
CACTTCATCTCTCTAGAACTCTCGCTGGGAATTTTCCCCCATTCGATCCACCTTGTTACCATTAGATAATTT  
CAAGGAAAAAATTTAAGCTTTTGTGAAATGGGGTTTCAGAACTCTCCTCTGTCCGATCCCCTTCTCTCGATCT  
GTTACTGACACTAAATGTACCACCTGAATTTGGGCTGTGCTTTTGGAAATGTCGAAACATAGGATGAAATGAG  
TCAGACAGAAGTATCAAGGATAAAGACCCCTCTCGTTCGCTCGCTACTTTGATCGGTGCGAGTTGAGGAAC  
GAGAAGGTTGAGAAACCATTTGTGAAGTATGGACAGGCTGCTTTGGCTAAGAGAGGAGAGGACTACTTTCTG  
ATCAAACCTGACTGCCAGCGTATTCCTGGGAACCTTCCACTGCATTTTCTGTCTTTGCGATTTTGTGATGGACAT  
AATGGCATTTTCAGCCGCTATTTTTGCGAAGAAACATTTATTGGAAAATGTCCTAAGTGAATTCCTCAAGGGGT  
CAATAGAGAAAAATGGCTTCAGGCTCTTCCCCGAGCACTAGTTGCTGGTTTTGTAAAACTGACATAGAGTTTC  
AGCAGAAAGGGGAAACTTCTGGGACTACTGTTACATTTGTTGTGATTGACGGGTGGACTGTTACCGTTGCTTC  
TGTGGGAGATTACGGTGCATATTAGACACCCAAGGAGGTGTGGTTTCTCTATTGACAGTTGATCATAGGCTG  
GAGGAAAATGAGGAAGAGAGGGAACGTGTAAGTGAAGTGGTGGTGAGGTTGGGAGGCTCAATGTTTTTGG  
CGGGAATGAGGTTGGGCCCCCTACGTTGCT

>trans\_c\_2771 AY887896|Gossypium hirsutum calcineurin B-like protein 3 (CBL3) mRNA, complete  
cds

GAATTGTCACCTTCGATTTCTTCTTTCACGACCGCCGCGCAGCCTAGCCAGAACGGCTCATCATTTCCACCGC  
GGCCACCTCTCTTCATACGAATAGGTTTCTGTTGTTATGTGAAGTTTTGGCATCTGAGTGAGTCATTAGAAGC  
AGGAAATGGTTAAAGGCATGGAGTGTTTTGATTATCAAGCGATATCATGTTGCAGTGCATAGGGGGGATTTTT  
TGCTTCCTTAGTAAGATGTTGTGATCTTGACTTGATAAGCAATCAAGAGGTCTTGACGATCCTGAACCTCTAG  
CGAGGGAGACTGTGTTCAAGTGAAGTGAATAGAGGCACTATATGAGCTCTTCAAGAAGATAAGCAGTGTGCG  
TGATTGATGATGGCCTGATCAACAAGGAGGAGTTCCAAGTGGCATTGTTGAAACGAATAAAAGGAAAGCT  
TATTCGCTGATAGGGTGTGTTGATTATTTGATACAAAACACAATGGAATATTGGGCTTCGAAGAGTTTGCTCGT  
GCATTATCAGTATTTATCCGAATGCCCCAATTGATGATAAAATTGAATTTCTTTCAATTGTACGATCTTAAG  
CAGCAAGGTTTTATAGAGAGACAAGAGGTGAAGCAAATGGTGGTGGCTACCCTTGCAAGATCTGGTATGAAT  
CTTTCGGATGATGTTATTGAGAGTATAATAGATAAGACTTTTGAAGAAGCTGATACAAAACATGACGGAAAAA  
TTGACAAAGAAGAGTGGAGAAACCTTGTTATGCGGCATCCATCTCTTAAAGAACATGACCCTTTCATATCTC  
AAGGACATCACCACAACCTTCCCCAGCTTCGTCTTCCATTCACAAGTCGACGATACCTGAAGTCGTGATCGTGA  
TTGTGATTGTGATCTGCCGTTTAAAGTTAAA

>trans\_c\_2772 HM122429|Malus x domestica ALF domain class transcription factor (ALF2) mRNA,  
complete cds

AATATTAGCATTTAGATCCAATGATGGAAAGATATTGAGAGATCTCAATAGCCCGACTTTACCCTTTCAACAAA  
TTCAAATTCGCTGTTTCACGATCCATAGCCATATATATATATATATTCCTTCGCAAATTGTTGTTTTCGATTC

TCTCTCATTGTTTAGGTAATCTGCAGTTTTTCTTTGATTTCTTTTCCAATTTTCGACTCTATTTTCTGCTCCGGAA  
CGAGGAGGAGGAGCTTGAAGAAATCCGCCATGGATGGAGGTGGAGCAGTGCACAATCGCTCAGTCGAAGAT  
GTTTTAGTGATTTTAGAGGACGGAGAAATGGCGTCATCAAAGCGCTCACCGTAGATGTTGAAGAGTTCTATC  
AACAATGTGATCCTGAGAAGGAAAATCTATGCTTGTATGGGTTTCCAAATGAAGTATGGGAAGTTAATCTACC  
TGCTGAAGAAGTACCTCCAGAACTTCCAGAGCCAGCACTGGGTATTAATTTTGCAAGAGATGGCATGCAAGA  
AAGGGATTGGTTGGCTTTGGTTGCTGTACATAGTGATTCATGGTTGCTCTCTGTTGCCTACTATTTTGGTGCGA  
GATTTGGATTTGATAAATCTGATAGGAGGCGACTATTTAATATGATAAATGATTTGCCAACTGTATTTGAAGTG  
GTCACCGGTATTGCAAAGAAACAAGTTAAGGAAAAATCATCAAGTGCTAATGGTAGCAAATCCAAGTCAAGT  
CTTAAATCGAGGGAAGCTGACGCGCAAGGAATGTACGCAAGGCAGTCGCAGGCACGGGAAGAGGTAGAGA  
CGTTGTATGAAGAAGATGAAGACGAGCACGGCGACACCTTATGTGGGGCATGCGGTGAGAATTATGCTTCAG  
ATGAATTTTGATTTGCTGTGATATTTGTGAGAA

>trans\_c\_2773 AY125568|Arabidopsis thaliana At1g48160/F21D18\_11 mRNA, complete cds

AGAAAGAAAAATCCTTTCCGCCTCACCCCATTTTCTCGCTCAATTTCTCCATTGTCGTAGTTCCGTCGGAAC  
AGTAAAATCAGATCTCTGTTAGCTTCTCGATTGCGCATTTCTAATCAATTGATTCTTGATTTGGAATTTGGTCG  
GAATATGGATGGAGAAATCCCAACATAAAGAGATGGGTAGTGTTGTATCCCATTTATATAAATTCAAAGAAA  
ACAATTGCTGAAGGAAGACGTATAGGTGTTAGCAAAGCTTGTGAGAATCCTACGTGTGCTGAGATTGGGGAT  
TGCTGCAGTCATCTCAAACCTGCCCTTTGCTATTGAGATTGATAAAGCATATCCTCGTGATTTATGCAAAGAGG  
GAGAGTGCGGGTTCAGCTGAAGAAGGAGGATGGAACCCTGTCCAATCCAGCTATTACTTCGAGAAAAACAACT  
GATGCTTCGTGTAGCCGAACCTGTTCCCTAGACATCCTGGGAGGACTAAGAAGCAGGAGCCGGCATCCTCATCA  
ACAGCAGGACCTTCAAAGGCAAGGGTGGAAGAAAGAAGAAATAGTTGCATTGCCATTATGAAATTTTTAGA  
ATCAGATTGTTATCAACCAGGCAGGCGGTTTTCGTTTTCAGGTCTTAGTTCTTAATTATTAACAACCTTTGAGTAT  
TGGTGTTCTACCCCGGCCCTCATCCAAAACGAAAACTAACACAGTGGTCTGAAAGTTTTTGTGAAATGTCATC  
GATACTTTTTCTTAATGGTCGATAAAAAAAAAAAGTCAGGAAAAAGGTATTTGTGACAATTTTTTAAGTGTTA  
CCAAATATCACATTTGGTGTAACATGGGTTTTGTTTTGAACAATTTTGTAAAATAGTGGATCAAGAAGTTTTACT  
AAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2774 EF174190|Jatropha curcas betaine-aldehyde dehydrogenase (BADH) mRNA,  
complete cds

TACACGAAAACATTGCTGATGAATCTTGGATAAGATCGTGCAATGGTGCAAGAACATTAAGATTTTCAGATCC  
TTTAGAAGAAGGTTGCAGACTTGGCCCTGTTGTTAGTGCATCTCAGTACGAGAAAGTATTGAAGTTTGTCTCA  
ACTGCTGAGCAAGAAGGTGCAAAGATTCTATATGGTGGAGTTCGCCCTAAGCACCTAAAGAAGGGATACTTC  
GTTGAACCAGCAATTATTACTAATGTTACAACCTCCATGCAAATATGGAAAGAAGAAGTCTTTGGACCTGTTCT  
ATGTGTGAAGACTTTTAGTTCTGAAGATGAAGCTATTGAATTAGCAAACGATACAATATATGGCCTAGGTGCT  
GCTGTAATATCAAATGATTTAGAAAGGTGTGATCGTGTAGCCAAGGCTTTTCAGGCAGGAATTGTGTGGATTA  
ATTGCTCGCAACCATGCTTCACTCAAGCCCCATGGGGAGGCGTCAAACGGAGTGGCTTTGGTCGAGAGCTAG  
GGGAATGGGGACTTGATACTTATCTGACTGTAAAGCAGTTACTCAATACATATCCGATGAACCATGGGGATG  
GTACAAATCTCCTTCTAAACTGTAAAAGAAACGACTCCTCTGATTCAGAATAAGCACTTCTCTTCTACTACTTAC  
GTCTACTCGGAAGAATAAAGTTGGGTGAAGAAATTCTTGATAAGTAGTTCTACCCTATGAGTTCTCTGTTTAG  
TTCAGTTAGTTTGTGTTTAAAGAACTCAATTCAATTTACTTAAACATTAGATACTATGATTGTGAGTCGATAGAA  
AATGGAGTTGGTAGCCTGAAAAAAGGAACTATTGTATGATATAATCTGAGCTTCTATGAATTCAGGCACCTTTCT  
TGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2775 X83524|N.tabacum mRNA for L-Glutamate:tRNA-Glu ligase

GATGAAGGTCCAAATGTTGGTGGGGAATACGGTCCTTACCGCCAATCAGAAAGAAATGCTCTATACAAACAG  
TACGCGGAGAAGCTTTTAGAATCTGGTCAAGTATATCGCTGCTTTTGTCAAATGAGGAACTAGAAAGAATGA  
AGGAGGTTGCAAAGCTGAATCAACTGCCTCCTGTATACATGGGAAAGTGGGCCAGTGCTACTAATGAGGAAG  
TAAGGGAAGAACTGGAAAAGGGTACCCCTTACACGTACCGATTTGCGTGCCTCAAGAAGGGAGTTTGAAAA  
TCAATGATCTCATACGAGGGGAAGTTAGTTGGAACCTGGATACACTTGGAGATTTTGTAATTATGAGGAGCAA  
TGGGCAACCTGTCTATAATTTTTGCGTCACTGTTGATGATGTTACCATGGCCATCTCACATGTCATAAGAGCAG  
AGGAACATTTACCAAACACTCTTAGGCAGGCGCTGATATATAAGGCTCTTGGTTTCCCAATGCCTTACTTTGCA  
CATGTTTCCTTAATTCTTGACCTGATCGTAGTAACTATCGAAACGACATGGTGCGACATCAGTTGGTCAGTT  
CAGGGAAATGGGATATCTACCCGAGGCTATGGTTAACTACTTGGCTCTATTAGGTTGGGGGGACGGTACTGA  
GAATGAGTTTTTACTCTCGAACAACCTGTGGAAAAGTTTTCAATTAGCCGTGTAAACAAAAGTGGTGCTGTTTT  
TGATTCTACTAAGTTAAGGTGGATGAATGGTCAGCATTTGAGAGCCCTCCATCTGAAGAATTGACCAAGCTT  
ATTGGTGAGCGCTGGAAGAGCACGGGTATCCTGACAGAATCGGAAGGACCATTTTGTGAGGAATCAGTTCAG  
CTGCTCAAAGATGCAATTGACTTTGGTACTGATGCTG

>trans\_c\_2776 AB469200|Malus prunifolia IAA14 like mRNA for indole-3-acetic acid 14  
transcription factor like, complete cds

GAGGTGGCGGTGTCGGTGTGCGGGTGGATCTCAATGAGAATGTTAAGAATGTTTCGACGAACGTGGATGGT  
GAGAAGAGCCTCTGCTCCAAGGATCCTGCCAAGCCACCCGCCAAAGCACAAGTTGTGGGATGGCCACCAGTT  
CGATCGTACAGGAAGAACGTGATGGCACAGAAGAACACAAGTGGCGGGCGAAGGAGCGGAGAAGGGAAGCA  
GTGGCAGCTCAGCTGCCTTTGTGAAGGTTTGCATGGATGGTGCTCCATATCTCCGCAAGGTTGACCTGAAAAT  
GTATCAGAGCTACCAAGAACTTTCTGATGCCTTGGCCAAGATGTTGAGCTCCTTCACTATGGGTGAATATGGTA  
CACAAGGAATGATAGACTTCATGAATGAAAGGAAGTTGATGGATCTTCTCAATAGCTCTGAGTTTGTTCTACT  
TATGAAGATAAAGATGGCGATTGGATGCTCGTGGTGATGTCCCATGGGAAATGTTTGTGGATTGATGCAAG  
CGTTTGAGAATCATGAAAGGATCAGAAGCCATTGGCCTTGCCCAAGAGCTATGGAGAAATGCAAAAGCAGA  
AGCTAGCTGAGAAGAGATGATATTGAGAAAGTGGTTTTGTGAAGAATATGGTGTTCCAGCTTGGAAACTTGC  
ATGTTGTTCTGTGTATTTTTTTTTCTTTTTTTTTTAAAAAAATTAATGTTGTTTTTTGTTTAAATTATTAATTAGT  
ATATAAAGAAAAATATCAAATGATCTGTTGTTGGGGACAATATTTGTAATAGAAGAGACATGAAAAGCTGTAA  
ACTTTCACCTACTGTCTGTCTGGTTGATTTGTTTGTATGTTTAAATTATTATTATTACCCTAATTAATTTCCC  
ATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2777 NM\_001065694|Oryza sativa Japonica Group Os07g0207700 (Os07g0207700)  
mRNA, complete cds

ATACTTATTTATCTTCTCATCCTTTTGTCCGAACGAAAATAATTTTCGATCCCTCTGCTTTCCTCTCTCTTTTCGC  
TTTCATTGGAGGGAAAACCTCCAAACTTCCAAAATCCAAACCTCTGTTTTTCCTCTCTGCTCAAACCAAAGTAGG  
GTTTCGTCTGATTGCGCGAGCTTCAGCTCGATCTCTCCTTCAATGTATTTTTTCAGCTAATATTCTCCTTCGGTTT  
CCCCATTGCAATTCATTTTCAGTCAAAGTAAGCAAGCTGCTTCCCCGCTTTCTGATCTTCTTCTTGCTTCAATTT  
TTGCTTCAGTGTGCACTCATATTGAGTGACTTCTTGAGATTGGAACCTTCTCCCATCAATTTAAAAAATGCAGAC  
AAAGAAAAAAAGTCATGGGAGAAATACTGGTCGAGAGCTTGTGAGTCCCAAGGTCTTACGATCTCAAAGAAA  
ATATTAGAAAACGTTGCAAGTTGTAGAGAAGAATATAAGTGAACATAACATCCTCTGCTAGAAAACGCACT  
GTTGGTTGCTTTCCATCAAAAAAGAATGAAGAAGATGTTCTGACAGATTTAAACATTAAATATGATTTTCTACG  
CAATGAGACTTCTGGTGCTTGTGGTGGACCATGATGCGACTGATGGTGCTACCTTGGGCTTCAAGGCTTATGAT  
GACGGCATTGATAACTGTGCATCGGAAACCATATTTTCTCCTTCATTCATGTACCTGCTCATGATGGAGGAGA  
AGCCCATAAATGGAGTTGAGTTTATTAATTTCTTCAAGGTGAAGATCAAGTGTTCCATTCTGATACCAAAGTAA

ATAACTCAGAATGTATAGTTCATGGTGATCAAGATAAGAATTTACATCTAGGGGATGCTGGTCTATCATCTGA  
AGTATCAGCTATATATCTT

>trans\_c\_2778 Novel Gene

AAAGGCCAACACAACATAAAATTCTCCTCTCGGCGGAAAGGCGGAGCAGCGTCCAACCTTCGCCTTTCACAAAA  
TTAACTAAGAGGGGGCTTCCATTCTACGTCGATTCTGCTCCTCTTCTACTTTTTCCCTTCTGCTTTTTGTGACGA  
TGGGAAGAGGAAAAGTACAAGAGCAAGCCACCGTTCGGCGCCAATTCTCTACCCCTGAAGACATGCTTGCTG  
GGACCTCCACACGTCCACGCACGTTTAAACAGGTAGAAGCTGAGCACAAGGAGGAGGAAGAATCTGAGGAA  
GGATCTGAACAAGAATCTGGGGATGAATCTGATGATCAGGGAGATAAACCTAGAAGGAAAGGCACTCAAGG  
TATTATTGAGATCGAAAAATCCTAACTTGGTCAAGCCAAAAACCTTGAAAGCTAGAGATATTGATATTGGGAAA  
ACAACCTGAACCTTCAAGGCGTGAAAGGGAAGAGATAGAGAAACAAAAGGCTCACGAACGATTCATGAGGCTT  
CAAGAACAAGGGAAAACTGAACAAGCTAGGAAAGATTTAGAACGTTTGAGTCTTATTCGTCAACAAAGGGAA  
GAAGCTGCTAAAAAAGAGAAGAAGAAAAGGCTGCCAGAGAACAGAAAGAAAGCAGAAAGCTCGGAAATGAG  
CTCTGTGGACCTCCGAGCTCTTTACTGGGACGAACAATATGTAATCTCTACAATTTTACTTTCTAGTTTGCTT  
AGACAAATATTATCATTCTATGTCTGTGTGGCCGTGCAACCAAGTAATATTCCCTTTGGCTCAGAAGTGACCAT  
AGTATTATGCCGTTACATTTATATTTTATGCAAGTAACTTCTTATATCTTCTTCAGCATAAGAGGTTCCATTCA  
TTCTGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2779 NM\_001063933|Oryza sativa Japonica Group Os06g0284200 (Os06g0284200)  
mRNA, complete cds

AGATTACCTTGTCTCATTGGAAAGTGATATATTCGTTCTACTTATGATGGAAATATGGCTAAAGTTGTTGAAG  
GTCATCGCCGATACCTTGGCTTTAAGACGACCATATTGTTGGACAGAAAGATACTCTTCAATTTGATCGATCAA  
TACAAGAGTGAAAAGCTAAGCTGGGACGAGTTCTCTTTGGCTGTAAAGAAGCTCACGCAGACCGGATGGGG  
AAACCATCTAAACGGACGGTGATCCCCGATAAACCTAAAGAAGAGGATTATTTCTATGCCAACCTGAAGAAT  
GTTTGCCACCATCCGAGGAACAAAAGGGGCTATCTCTTCTTCAATGCTGAAGAGAAGAATTTGAGTTTTGAA  
TGTTTGAAACACTGACATTTAGTACATGGAGATTGAACTAATGGGAACACTCAAGATTTCCAAAGGTCCACA  
GATTTGCATATACAAAAGCCGGAAGTATATATAAAGAAGAGCCAACCTCGAAAATTGTTTATTGAGGAACAAC  
ATGGTTGTATATATTAGCTACCTTGGCTAGCTGTTATACAGGACGAGAGAGCAGCAGCTGCACCATCAAACA  
TCTTAGGAGATGCATAATAGAGTTTGTACACAGATGGATTTTGGTATGATATGATATTGCCTCACACCCATTGT  
TAGCCTCAGTCTTCATATTAGTAGCAGGGGAGCTAATAGGGAATGAAAATTGTTATTTTACTTCTTTTCCCAA  
TAAGAAAAAAAAAAGCAATATTTGTTAGGGTTCATTTTATGTATTTAGCATGTTACCTCTGATATGTTCTTTTT  
TTTTCTTCTGTGAATAGGCAGTCAAATTCTATGAATGATGGCAATTTATTCATTGATTTTGATATCTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2780 NM\_001185784|Oryza sativa Japonica Group Os01g0923300 (Os01g0923300)  
mRNA, complete cds

TGGTACAAGGAAAATTTAGACATTTGCCGCTAGTTGAGAACGGGGAGGTCATTGCATTACTTGATATTGCAAA  
ATGTTTATATGATGCTATTGCACGAATGGAAAGAGCAGCTGAAAAGGGAAAGGCCATTGCAGCAGCAGTTGA  
AGGTGTTGAAAAAAGTTGGGGAACCTCTGTTTCTGGTCTTAATACGTTTATTGAGACACTTCGAGAGCGTATG  
TTCAGACCATCTCTGTCTACTATTATCCAGAGAATTTAAAGATTGTTACAGTTCCACCAACAGAAACAGTTTTT  
ATGGCCACAAAAAAGATGCTTGAATTCGAGTGAGTTCCGCAGTTGTAACAGTTGATAACAAGCCACAAGGA  
ATTCTCACGTCAAAGGATATTTTATGATGCGATTAATAGCACAAAATCTTCCACCAGAATCCACACTCGTAGAGAA  
GGTCATGACCCCAAATCCTGAATGTGCATCAATTGATACCAATAGTTGACGCTCTGCACACTATGCATGATG  
GGAAGTTTTTGCATCTCCAGTGGTAGATAGAGATGAAACGTTGTTGCTGTAGTTGATGTAATACATATCAC



CCATGCTGCTGTGGCCACGGTTGGAAATACATCTGGAGTTGGCAACGAGGCTACAAGTTCTATGATGCAGAA  
GTTTTGGGATTCTGCCATGGCCTTATCTCCAAATGATGATGACGATGAATTGCGTAGTGAAGGTTCAATGAAA  
TTGGCTTCTGAGGAAACGGATACTGGAAGAGCTCTCCCTTTCCATCATCTGGATTGTCTAATACTTTTTCTTTT  
AAACTTGAAGATAGGAAGGGCCGGATGCATCGATTTTCTTGTGATACTCGGAGTTTAACAGATGTTATAACAG  
CAATCATTCAGAGAGTTGGTGATGATATTGAC

>trans\_c\_2781 BT015529|Arabidopsis thaliana At5g66860 mRNA sequence

ACACCACATACAGCTCCGCCTAGCTCCTCGCCATTCCGGCTGCCATTGTCGAGATTTCCGACCGATCATGGCCA  
AGTGGTGGCGCTCCGCCGGAACGAATCTCAGGTGGGCGGTGTTGTCAGGAACAAAATCGGAATCGTTTCCAT  
TTTCATCATTTGAGCTGCTTACCATACGATTCAAGCAATTCCTAGAGAGTGCAGCGGCCGCAAAATTTGAGC  
AAAGATAGAGCTCAAGGAAGAATACCCGCCGTCGTTTTAGTCAACAACCTCCTTGAGAAAAACCCAGTCCACG  
GATCGCCGTCGCGAAAGCATCTGCTCACAACAGAGCGAAAGCAAATTCATCTATTCTCAAATCCGTAAAGCTT  
CCTTTCTTTTGTTCCTAGGTTCCAGCTTCAGATCCGTGCTGGTTCGGATCTTCAGTACTTCTTGAATCAGGA  
TCCATCCTTCCAATTAATTCATAGGAACGAAGAAACCGGGAAGATCTTCAATATTGTGTTTGATGGGCTGA  
TGAAGGCTCGGAGTTGAAGGTAGATGTGCCAATTGTTTTAAAGGCGAAGAGGCTTGGCCTGGTCTTCAGAA  
AGGAGGTCAACTGAACAAGATAAGAACTAGTCTGAAATATCTTTGCCAGCCGAACACATTCCTTCAAAGATT  
GAGGTGGATGTAAGCAATCTGGACATTGGGGATAGAATTTTCATTCGCGATGTAGATGTCCATCCTTCTTTGA  
AGCTACTTAGCAAGAATGAAGTCATGCCTATATGTAAATAGTCACAACCAAGTCCAAAAACGAAAAACACAGA  
AGCTTCAGAACTTCAGAACTTCAGAACTTCAGAACTTCAGAACCTTCATGACGGCAGATTCGTTGAAAA  
CATATTTGTGTTTAAAAGCTTTTGGTCTACT

>trans\_c\_2782 FJ212173|Cicer arietinum zinc finger protein ZF3 gene, complete cds

AAGGAGTGTTGTATGAAAAGTTTTGTAACCGTAAAATCAACCACCGTGTTCTCCGGCCGACGAGATGTTAATC  
AGTGAACGACACCGTCTGGTCCGGTGGTTCATATCACTCCATTGACCATACCGGAGGAACCTACGGCAACCG  
AGACGCGGTTTCCTTATCCTTTGAGTGGAATCTCGGTGAGTTCTGATGGTAATACCAATGGCGGTGATTATTCT  
CCTTATTATCTTCAGGAAGCTTTAGCGGCCTTCAGAGGTATACGAATGAGTCGGAGATCGAGTCTGATTCCG  
AGTTGTCTGGACGGGAAGCGGACGTTCCGTTGAATGCTTACTCGTGCATCATTTTCGGATTTTGGATTCAA  
GGTGAGGAAGTGTACTCGTGGACGTTCTCATGATTGGACGGAGTGTCGGTACGCTCATCCCGGCGAGAAGGC  
TCGCCGGAGAGATCCGAGGAAATATCATTATTCTGGTACGGCGTGTCTGATTTTCGTAAAGGTAGCTGTAAG  
AAAGGAGATTGATGCGAGTTTGCGCATGGTGTTCGAGTGTGGCTTCATCCTGCTCGTTACAGGACTCAGC  
CGTGTAAGATGGAACCAACTGTAGAAGGAGAGTCTGTTTCTCGCTCATACTCCTGAACAACCTAGGGTTTT  
GCCTCAGCAGAGTCCGAGAAGCGCGAATTCGCCTGAGTCGATGAGGAATCTCCTCTTCGGCAGTCTGTGGAT  
GGACCTGTTCTAAATCGATGCCGTTTATGTCTCTCCTGTTTCTGTTTCGCCGACAGCGACTCCGGTGGACTCC  
CCACCGTTATCCCCATGACTCGTTCGCTCGGCCGGTCACTTTGGCTCGAGTTCCTCATGAATGGTCGCATC  
CCTCCGGAACCTGCATCTGAGCAAGGTCAAAT

>trans\_c\_2783 XM\_002878282|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNA binding protein, mRNA

GACGGTGCAATTCAGAAGTTGAGTCACCGTGACTTGTTGTTAACAAGACTTCGAACCTGTGNCACAATGTTA  
TTCTGGATGTCATGGTATTGGTGATTGATCTCCACATGTACATTAGCCCATGGCAAAGTTCAACAAGCTGAG  
GAATGAGATCCGAATTTCTTAGTCCAACCTATGGCAGTAGAAGTTGTATTGACAGCTTGGGATGTGACAATAAT  
TAGTGACTGCAGTCTAGTTATAGCAGCTTCGTCTTATCTAGCTTGCTTTTCTCCCCCTTGATTCTGACTCTG  
CAACAATGACAATTTCTTTTCATGTTCAATCTTCACACCTTCTCTAGCCTTCACTTCTTGGTAGAGTTTCTTCTCC  
CAAGCCAAAAGCCGGTCCAATGTGCAACAGAGGCTTTTCGAACCGCCAGGTTGGTCGAGCGAACCGGTGTGCG  
AGCCGGTACTTGACCGACAATGGCGGCTTGGAGGTCCAGGTGAGCTCAAGGTGCTCAACACGCTGCTCGAA

TGGTATACCGTCTTTTTTAGATGTCGAAAGCTTTTATCCAATTCTGCTTTACCAATCTCTAGCATCTTCGAAACT  
GAATCTCCTGCAACAGCTGCCTTCTCGAAGTTTTCTTTGAGAGCATCAACAATTCCTTCAAATCTTTATGCCTC  
ACAACCATTCTGAGGTCGGAGATCTCACCGGTTCTGGAAGCTTCCTGCGGAGGAACCTGCGTCGTCGAACTTCT  
CCATCTGCGTTGCGTATTTGGCAGGTGGAGGAGGAGTCACTGGTTGCGGCGCTACCGACTCTGTTCGGATCG  
AGGATTCGAAATTTGAGCGAGTGTCAGCCTCTGATCTCAAATCGGCATCTGTACCATCAATTCATCAATGTCT  
GATGAGCTCGTGGTGCTGTAGTGATCT

>trans\_c\_2784 XM\_002879837|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tRNA-binding region domain-  
containing protein, mRNA

ATCCATTCTCTTACCGGACAAAATTCTCTTCACTCAGAAGCCCCAAATGGTCTCCAATGGAGGTTCCGCTTTG  
GGTAGGAAGCACTTAGTAGCATCAGCGCTGGCCAAACACTTCGCCTTAGATCATAATGCAAAGCATGGAAAC  
ATCCATCTGCTGACAGTTTGTTGGTTGAGGAGATAGATGTTGGCGAGGCGAAAGTGCGGCAGGTTGTGAGTG  
GTCTGGCAAAATACTGTAGTCCAGAGGAGTTAACTAACCGCCATGTTGTTCTTATTACTAATGTAAAACCTGGA  
AAGCTACGAGATGTGATGTCAGAGGGATTGGTGTTATGTGCATCTAATGAAGATCACACCGTCGTGGAACCTT  
TGCTTCCTCCAAAAGGAGCCAAAATTGGTGAACAAATTTCATTTTCTGGGGTTGATGGAAAACCAGAAGATGT  
TCTTAACCCCAAAAAGAAGCAACTGGATAAGATAACACCGCATCTCTTACCAACGATAAGGGCGAGGCAAC  
GTTCAAAGGTATTCCTTTATGACATCTGCAGGACCGTGACATCGTCTATCTCCAAGGGAAGTATCAAATAAT  
AGAAGCATACCCCAATGATATATAATATAGTAGAAGAGAAGGGAACCCCTAACATTGAATGCTATTTGGCAAA  
CCAAAGAGAGTCAGTTTTGAAGACATGAGGCATGGGGTGACCAAATTAAGAGCAGCTTCTCATTATTTTCAGG  
TAATGTAATGGTTAATGGTTTTTCATTGTCTTAAATTGACATTTTCATGATACTTCCAACAACACTCACGTTCTG  
TTATGATGTAAAAGGCTTTAAATGTGTTGAACATTTTTTTGTTTTAAAGAAATCTCAGTCTCCCAACCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2785 NM\_001036437|Arabidopsis thaliana PPL2 (PsbP-like protein 2); calcium ion binding  
(PPL2) mRNA, complete cds

ATGACCACAAAAACCCAACCAATTAGATATACCATTCTCGGCTTCCATTTTCCAATTTTCCATTTTATGAGAGC  
TTCTCTTTATCAGATATGGCCGTTTCAACCTCTTGCCTGAGTTGGGTTCCCACTGCATCCAATTGGAAGCTG  
AAGTTGCTTCCTTTCAATGAGCCTACAACAGCTACTTCTTCATTTTCTCCTCTAGTACCATCAATTGCTCAATTG  
AGAGAACTTCTCGTGATGAAGGCATTTACAATAGAAGGCCGCTTTTGTGGGAGTTGGAGCTCTAGCTACAAG  
TTTACTGGGTGCGAGTCACCTCTTTGCTCAAGAAGTCCCAAAGAATTATCGAGCATTGTAGACTATACAGATG  
GGTATTCTATTACTACCCCTCTGATTGGAGGGAATTTGATTTTCGAGCCCATGATTCGGCATTCAAGGATCGA  
TACCTGCAACTACAGAATGTTAGAGTGAAGTTCATACCAACAGAGAAAAAGGACATCCATGAAGAAGGGCCA  
TTAGATGAGGTTGTCAACTTTTTGGTAAAACATCGATATGCTGCACCAAATCAAAAGGTTACCATATATGACAT  
GAAGGAGCGAACGATTGATGGGAAAAATTATTACACCTTTGAGTATAAACTTAGTTCTAGAGCATTCTCCCGC  
ACCGCCTTTGCAACCATAGCCATTGCAAACGGTAGGTACTACACATTGGTAGTTGGGGCAAACGACAGAAGG  
TGGAGAAGGTATCGCGATATGCTTAAAGTGGTTGCTGATTCTTTCAGGGTGTGGATATCTGAGCTGTTTATG  
AAGGGTGTAATCTACCCAGTTTCTCTATTTAAATTTTCCCTCTTCATTAATATCTATTGGAAATATTGNTAT  
ATAGTTTGGTAATATATCAATGT

>trans\_c\_2786 NM\_001068471|Oryza sativa Japonica Group Os08g0448100 (Os08g0448100)  
mRNA, complete cds

AATTAACGACCAAACTCCTACAACAACAACAACCAATAGCAAGAAGAAGAAAAAAGTCAAATCAGTTG  
ATATCTATATCATTAATGGAGGCGATAAGCTTATTGGGTCGGCTGAGGAAGGCGGTGAAGAAGATTAAATTC  
ATGATGAATTTTAGCATTCAAAGATGGCGGTTAGCGGCGATGTTAGGCCGGACTTCGTCCAGAAATCTCCGCC

TTAGCTTCAACGAACGTCCAGGACTAAAGGCAGCTTGTTCCGAAGATATTATTATGGAAGAAGAGCCGGTTTC  
TTCTTCATCTCGTGGGCTTCAAAGAACCACCAGCTACGCTTCTGAAGATGACGTGGACTCCCGTGCGGAGGCT  
TTCATTGCTAATTTCTATCGCCAGCTCAGAATCGAACGCCAGGTGTCACTTGAGCTTCAATATTGCCGTCGAAA  
TAGTTTTGATTAATCATCGATATAATCCACCTGTATATTCTCCAATTTGGTGAGGCAGATTCAATTCAATTAGT  
TCAAGAAGATTTGAATTTGAAGAGATGGGGGTACTGGAATCGATGATCATTGATGAATATTCATAATGGCT  
AAATAATTAAGCCTTGAATTTGGAGTAGTATTTGAATTTTGTGTGAAAACCTCAATTATTGTGTGCTTTGATTA  
GTTCTCTCTTTTGGCTCTCATCAACAAGATGTCCCACTTGCTTCATTGGATGACAAATTGAAGGCAATAATTGG  
GATACTTAGGAATTTGGTTTTGAAATTTCAAGAATTTGTTGTATTTTTGTAGTGAATAATGGAAAATACAAA  
GATTTGTTTGTCTTTATTATAATGTAATTATTTATTAATTGAAATTTCTTTTTCTGTATATATTGGGTGCTTCAT  
TCGAAATGTAAATTGAATATTGAT

>trans\_c\_2787 BT005824|Arabidopsis thaliana At1g03610/F21B7\_13 gene, complete cds

ATTTACTGCTAGTTAACAGCTCAACCACCATGTTTTCTTCTCCTTCTTCTTCTCTCTGATTCTCGTCCTG  
CCGCTGAACCTTTGCCTTCTTCCCGATTCTCCATATATTCAACCGATCACCGAAAAAAAAAAATCCCTAAGC  
CGGAATTTAGATCGGAGAAGACGAAAAAACCGATGGCTCAAACGACGCCGTTTAGTTTCACTGACCATAAAA  
CCACCTCCAATTTGGAGCGCTTTCTTCAATGCGTTACTCCTTCTGTTCTTGGCGAACTCTTCTCGGAGCTGCC  
TTCATGATCTCAATAGTCAGTGGCAACAACCTGATAAAGATACTGTTCAATACTTCACACTTGGTGAGCTGTGG  
GATTACTACGACGAATGGAGTGCATACGGTGCCGGTATCCCTATACAACTGAATGATTCGGAAACTGCTACGC  
AGTTCTACGTGCCTTATCTGTCTGCAATTCAGATCTATACAAGCAAGCCTGTTGCCCTTCCAGAAACCGAAGA  
TACGATATTGACATGGCAGAATGTGAAAGCGATTCTTGAGTGACGATAGCTGGAGTGATAACATGTCAAGA  
TCCCTGAGCAACAACCTCTAGCAGAACATGGGATGCGGTTTCTGAAGATTCGAGCTTCGACCAGGAGGGATCA  
TGGCCTCTGAGGGAAAACTTGTTACCTCTCTTACAATATATGGAGATGTCTTCTCCTTATTGGAGAGTGCC  
TTTTATGGACAAGATAACAGAGCTAACTCAAACCTATCCTGCACTAAATACACTTAGGAGTGTGGATCTTCTC  
CAGCTAGTTGGATGACCGTTTCTTGGTACCCTATTTATCATATCCCTAGTCAGAAAACGACAAAGACTTCGCGA  
CGTGCTTTCTTACTTATCATACAT

>trans\_c\_2788 DQ868985|Gossypium hirsutum phytoeyanin-like arabinogalactan-protein (PLA1)  
mRNA, complete cds

AGCAATAATTTTGAATTTTTCTCAAAGAAAGCATGTGTTAATTTGTAGTGAAGTTGTTTGGAGTATTGAT  
GTTTGTGCAAAAAGTTTGTGGAGTTGAGTTTCAAGTGGGAGGATCAAAGGTGTTTGGGGAGTTCCTCAGA  
TCCTAATGCTCAAAGTCTTAATCAATGGGCTGAATCAAGAAGATTTCAAATTGGTGACTCCTTAGTGTTCAACT  
ACCAAGGTGGGCAAGATTCAAGTGCTATTAGTGAACGAAGATGACTACAAAAATTGCCACACAGAATCACCCAT  
AAAGCACTTTTCAGATGGCCACACTGTCATCAAGTTTGAAAAATCTGGCCCCCATTATTTTATAAGTGGCATCA  
AAGACAATTGCCTCAAGAATGAGAAATTGGTGGTGGTGTGTTTGGCTGATAGGTCCAAGCAGTACTCCTCTCC  
TCCCCGGCTCCAGCTACCGGTTCCCAACCGCCCGAAGCTTCCGTCCAGATGAACCCAACTCCGTCCCCAATCG  
CCGAGGAGCCCCCTGCTAATAATAATGGTGCAGCGTCCTCGTCTATCGTCACCTTTGTTGGTTTAGCTGGAATG  
CTTGCTACTTCAACAGCTCTTCTTTGTAATCGTGTACATTGCAATTTGATGGGTCCTTAGGGGGTTTTTTTATTT  
ATTTATTTTATAATTGGGTTGAAATAATTTTAAACAAGGGGTTGTGATGTTGTGTGGTGAATTGTTTGGTGTTT  
TTTTGGGAGTGAATATATAATAATTTGTGTGTCGTGCCTACTATTAGTTTTGTTGGCATATATGACAAGAAAAG  
AAAAAGGTAACTAACGATCTTGGGTGGTAGGCTTAAAAAAAAAAAAAGCCCTGTTTATATGTGTTATGTACTC  
GAATAAATGAATTTTCATCAAAATT

>trans\_c\_2789 HM143941|Solanum lycopersicum auxin response factor 10 (ARF10) mRNA,  
complete cds

GAGCCAGGCATACTCAATTTGGAATATCTTTATCAGATTTCCATCTCAACAACAACTGCAATTGGGGCTGGTT  
CCGTCCAGTTTTTCAGCAGATTGATTTTCACTCTAGGATTTCCAATCGATCAGTTACAGACCACAGAGACAGCAG  
CAGTCATAACTCGTCGGTGTTGCTAAACGGGGAAAAGACTGGTCCAAAGTTGGAAAGATCCGATTCAGTGAA  
GAAGCATCAATTTTTACTCTTTGGTCAACCTATACTGACTGAACAGCAAATCACTTGCAGCTCTTCCAGTGACAT  
TCACTCACCTCGTACCGAGAAAAGTTCCTCAGATGTAAATGTGGAGAGGGTGAAGTTTCACTCCGATGGCTCA  
GGATCCGCTTTCAAGCAGCAAATTTCTCCTAACAAATCACCAGGAGTAGGATTTCCATGGTACCAGGGTTATC  
AAGCCACTGAACTCGGCCTAGACATCGGTCACTGCAAGGTATTTATGGAGTCAGAAGACGTAGGCCGCACAC  
TCAACCTTTCGGTCATCAGTTCATATGAAGAACTATACAGGAGGCTTGCAAATATGTTTGGAATGGAAAAACC  
AGACATTCTTAGCCATGTTTTGTACCAAGATGCAACAGGTGCTGTGAAACAAGCTGGAGATAAACCATTTCAGT  
GATTTTCATCAAAACAGCTAGAAGATTGACAATACTAACAGACTCGGGTTCAGACAAGCTGGGAAGGACATTG  
ATGGACGGAATGAGAAGTGGTGAAGTGGATTAGATGCTTCAAACAAGACTGGCCCTTTAAGCATATTTGCA  
TAGTCTTTCCTGATTGTGTTGATGATAAGGGAAAAAGAAACCAAGAAATGTATCTGCTCCAGAATTCTGCTTGT  
TTCCTGGGGAAAAAACTCAAATCTCAATCATTT

>trans\_c\_2790 DQ787065 | Glycine max bZIP transcription factor bZIP28 (bZIP28) mRNA, complete  
cds

CCCTGCAGTCCGTTTGATCCCTTCCCTCTTCTCAGCCGACGAATTCAATCCAGGCATTTGAGCACTATCCCCGCT  
TTCATTTACACTGCTTTCTGCTTCATTATCACTGCTCTCACCACCATTTGTCTTTGTTCCACTACCCCTACTATCCA  
AATCCTCTCGATTCTCATGACCATTCTTGTCGTTAGTCCCAGAAGAGTTGAACAAATCAATATGATCCAAATTCA  
TATAAGCAGAAAATAAGTCGTCCACACTGTCCCCATCGGATTTCTCTCACCCATTCCTTCTAAATTGCTGTCAA  
CGCTTTTCTCAAAGTAGATTCTCTTTTAACAAACTGGCTACCGGGCTTTAATAAGCCAGCATTCTCTTTACTACT  
TGTTGATCGTTCCAATCCACCAGAGCTATTGAATGGGAGAAGAGGAGATGGCTGAATCATTGAAGATAATCC  
AAATGGAACATCACTATTAGACCGCCTATGAGCTTTACGAGGAGGTAAAGAATCTCCCATCTTAGAAGAATTG  
ACTCTCATATAAGGTGAGGGGGGCAACAAAGAATGTGAACTATTATTATCCCTATCCTCCATTGATGTATCTGC  
AGAGACCTGATCTGAATTCGACGTAGTTGGGGATTACGAAATGGAGATGGGCTTAAAGGGGGCAAAGAAT  
CAAGAGAGAAAAAAGAAGGCTGAGTCAACGACCGAGAATGAGTAGGTACTGGGTATAATTTTGCTGATTCA  
TCGGACGCGAGATCGGGATCTGAGAATACGGTGAAATTGGTGGGATCTGCGGTGAGTTGGGACTAGGAGGT  
ATTCCAATCCTTCTACTATTATCCCCAAGAAAATTTGAATGAAAGTGCGGTGGACGGATTTGTGAAGAGTTCAT  
TTGGGAAATTTTAAGTTGATCCATC

>trans\_c\_2791 XM\_002883224 | Arabidopsis lyrata subsp. lyrata leucine-rich repeat family protein,  
mRNA

ATGGCCGCGTGCTTCAGTTTCCACTCTGATACCACCCACCTATTCATTTATTTCTCAACGGATCTCACCTCAAA  
ATGCGCACCAACCGCGTTTCGGTGCTTATCCATTTACTGATTCTCGCCGTTTCCTCGGCCGTTTCATGCCTGCCCCA  
CCCTCGGAACGGGCAGCTCTTCTGGCTTTTCAGAGCTGCCCTTCATGAGCCTTATTTAGGAATCTTTAACTCTTG  
GACTGGAGATGACTGCTGTAACCGATGGCACGGTATTAGCTGTGACCAGGTCACCCACCGGGTTGCTGATATT  
AATCTCCGGGGAGAAGCTGAGGACCCATTTTCGAACGGGCTCACCGTACTGGTTATATGACCGGTTATATTT  
CTCCTGAGATCTGCAAGCTTACTCGTCTTTCTAGCGTTATTATCGCCGATTGGAAGGGCATCACCGGCGAGATT  
CCGAGATGTATAACTTCTTTGCCGTTTCTCAGGATTCTAGACCTTATTGGTAACCGTCTTTCTGGCGACCTTCGG  
GCGGATATTGGTCGACTCCGTCGACTCACGGTTTTGAACGTTGCGGATAATTTGATTCCGGTTCGATTCCATC  
GTCGCTTACGGCGCTTACGAATTTGATGCATCTGGACCTCCGAAACAACAAATTCTCCGGTCGTTTACCCCGAA  
ATTTCCGGGAATCTGAGGATGTTGAGCAGAGCTTTACTTAGCCGAAACCAATTCTCCGGTTCATTCCCGATTCC  
ATTTCAAAGATCTACCGACTCGCAGACCTGGATCTTCTCAAACCAACTATCCGGTGTAATCCCGAGTTGGAT

AGGAAGAATGGCGGTCTTAGCTACATTGAATCTTGACGGCAACAAATTCTCCGGAAGCATTCCACCGAGTATT  
TTAGTTTCGGGAAATAGCGATT

>trans\_c\_2792 NM\_001059557|Oryza sativa Japonica Group Os04g0465000 (Os04g0465000)  
mRNA, complete cds

TAGCCCAGCCCAGAGTGGCTCGGCCAGACCATGGCGCGCACCGTACCATTCTCTCGCGTCGTCTTCTTCTTCA  
TTTCCCCCAATCCATCACAGTTTTATCCTAGGGTTTCATGGCATCTCTGTAGGTGAATTCCTACCTCTTCATT  
CCACTCCATTCTTTTTCTGTTTCTAGACACCTCGATAGATCCTTCAATTCTTCCCGAGGTTTTGTTTCTGCAGA  
TGTCGAAGCCCCGAGTCACCATCACTCTCGGCCGCTCTGGTCAGGTGGTGAAGAGAGGAGGTTCTTCATCTTC  
TGCTGCTGACTTCACACAATCGTATGTTGACTCTGGACCTGAGCCAAGAAGAAAACGATATATTGAGCGATCA  
GCTGATAATGCCGAGGATTTGTTCTCATCAACGAATAAGCGGCAACGTGGAGTTGATTTTCATTGAGTTTAA  
GTGGCGGCGAGAGAAAAACGCCTACAGAGTTGGTCAAAATGATCTTCGCTTGAACTTATGCGCAAAAATC  
AATCTAAGAAAATTGGTATTGGGGAAGAACTCAAGGACAGATTTACACAATCGATTTTCGAAAAATTCTCT  
GCCCTCAACTAGTGGAGATGTAGTACATCGTGGGCATGAATTTAGAGGGAGCAATCTTATAAGACAAACGCA  
TTCCAGAGAAAGTGCTGATGATCTATACCTAGAACATTCACAGAGGAAAAGTGCTGTTTCCTATATTGACAGG  
ATGAGAGTTAGATCCCCTGATGGGATCGTGAAAAGCTCCATGGGGCATTACCTCCTAAATACGATGCTGAGT  
TTAGGAGAGGTTTCATCTATGAGAGAAGCTGATCGGTCTAGAGATGAATGGTTTCTAGAAACAGCATTGCTGA  
TAGTTACAGGACTGTAGACTCTGCATCTG

>trans\_c\_2793 EU302909|Citrus sinensis x Poncirus trifoliata pyrophosphate-dependent  
phosphofructokinase alpha subunit mRNA, complete cds

GATCTTTACCTTCAAATTTGATTGCGACTATGCCTTTGTTCTTGGCCATGTTTGCTACCATATCTTAGCTGCTG  
GTTTGAACGGTTATATGGCAACTTAACTAACCTGAAAAATCCTGTGAACAAATGGCGCTGTGGTGCTGCTCC  
AATTGCAGCCATGATGACTGTGAAGCGTTGGGCTCAAATCCTGGAGCATCGTCCATTGGAAAACAGCAATT  
CACCCAGCAACCGTGGATTTGAAAGGGAAAGCATACGAGCTATTGAGACAAAATGCGAGTCAGTTTCTGATG  
GACGATCTCTATAGAAACCCTGGACCTCTTCAGTTCGATGGTCTGGTGCTGATGCCAAGCCCGTCTCCCTTG  
CGTTGAGGACCAGGATTACATGGGCCGCATCAAGAAATTACAGGAATACCTTGATAAGGTCCGAACCATCGT  
GAAACCAGGGTGTTTCGAGGAGGTTCTTAAAGCAGCATTAAAGTGTCATGGCATCAGTGACCGACGTCCTTTCT  
GTTATGTCTTCCAGTTCATTCAGCGGAAAAGCATCACTAGAAGGATAATTAACCTCATTTTATGTTGGTGTTTA  
TTTTACCAGAGCAACAATGACAGTGCTAAACCTTGCTACTTCGACTAGCGGAATTGGGTTATAGATGACCT  
GATAATGACTGATGAGTTTTCAATTTGTTGCGTAACATTTTTTAATGAATAAGTACCCATCCTCTGCAGTTTTGG  
GAATCTGTAAAGTACTGTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTCCACAGTTTGGGTTTGAATACGGAAGGAACTCTT  
ATTTTGCATCTCCTCTCCTGCGGCTTTCAGTGTATCTCGTATTTTTTAGCATTCCATGTCGTTTTCTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2794 NM\_125741|Arabidopsis thaliana SAP domain-containing protein (AT5G63460)  
mRNA, complete cds

AGCACAGATTTGACTGATCATCTTTCTTCTTGTTCCTTGCAGGGTTTCTCGCCATGGCGCCTTCCTCTTCTTCT  
TCCGGTCATGGCGCTTCCAAGTTCCTTGGCGACCTTCCTTCCCGTGGCTTCTTCTTCCACCGTTCCCTCCTCAA  
ATCCGGGAAGTATGCGGGTCTACATCTGTCTTCATGACACCGCACCCCCAGAGGATCAAGAAATCAAGACAAA  
CCAGCAGAATATACTAATTAGATCTTTAATGCTTAAAAATTCAGCTCAAAGGATGGAAAAGGAGTAGCTACA  
GCTGAGTCATCTCGAAAGAGGGCTGGCGAAAAAATTTAGATAGCAGAGCAAAGAAGGCCGCACAAGTATG  
TTCATCCAAAGGAGCATCAAACAATGAAACACCAAGTAAGGATCTACAGAATTTGACTGTAGAGAGGCTGCG  
TGCCCTTCTCAAGGCTAAAGGCCTCTCGCTCAGAGGAAAGAAGGATGAATTGATTGCCCCGTTTGAGAAAGTGC

GGATGGTTAGACAACTGCTAAAGGAGTGAAACATCTGTCAGCTGCAAATCTTCATCAGTATAATTAGGCAAAC  
CCAATGTGTAGTTAGGAGTAGTTGGGTGTACTTAGAAGTCGAACTAATGGTGGTTTTTGGAAAACCAAAGCG  
CTGTTCCATTGATATCTATATTCATTTTGATGATGGAACAAAGCGTTCATAGTTATAAATTATAGAGATGAAGT  
AAGGTGTGATTTTCTCACTTTTTTTGTTTAAATCTTCTCTATTTTTCTGCAGCACTTGTCATATTTGAAATTCTCCA  
ATACATTGAGATATTCTTTAACTGAATACTACGTTTAAGTGACGTTTTAAGGTATTTTCTAAACATTCAAGC  
GAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2795 NM\_001059890|Oryza sativa Japonica Group Os04g0525000 (Os04g0525000)  
mRNA, complete cds

ATTCCACGTATTGACGTCTCTCACAAGAGTGAAGAGACAAAGAAATGGCGGAAGCTGGGCGCCTTGTGACA  
ACAACAAGAAATATAAACTCCATTTCAGTTCATTCAACAAACCTGCACCTAAATCTTTAACTCAAACATTCAAA  
ATCAAAGCTTCTTCAAAGAGAAATGACATCTCCTCGAGAAGAAGCAACAAACAAGGCGTCTAATCACAA  
TATCAACATCAGGAAGCAGATGGCAAGGGAAATGGACCTGTGATTACCTGCTTTCGCTGCGAGACCTCAACTT  
AGAAGACTTGGTAGAAGATGAACACAAAAATGCACACGTCTTCATCAACCTCTGTATTGAGAAGCATGCAAGT  
TTCGGGTTACCGTGGATGGAAGGATCAACACATCATTCCTCGAAAAGTGTGTACCTGTTCTTTGCCATACTG  
TAGAGAGATCAAAGCAAATTTAATGTATTGGTTCTGTCATCAACAGAGCCAACAGGGAGATTACCTTCCA  
GATATTGGAGGCGATGATCCTTCGGTAATCTACGTTAAACCCGGGCTTGAAGCCGATCTAGATTCATTGGTAC  
GTGACACAATTAGGCTTACCACCTCAACCAAGGACACTTGCTCAGAGTCGTGTGAGAAATCTCAACCCACAGT  
GCAATATATTGGGGCACAGAACGCTGCATCTATAGACAAGAGGTGGTTCAGGCTTTTGAGCTTAGAAAATCT  
AAAGCATAGATAACAAGCAATATGTATATATATTGATGGTTGCTCATATAGGCATTGAAAACATGACTGGCC  
ATTGGTAAATTTAAATTGGTTATCAGTTTCTAAGTCAATATCAAAATGGAAAAGTGGGTTTCATCTGCAACCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2796 NM\_001062108|Oryza sativa Japonica Group Os05g0419600 (Os05g0419600)  
mRNA, complete cds

AAACACAAAACAGGGAAGCGTTTAAGCCTCAAGCATCCATTAGCGTTGTTTTGTTCTCCAACAACCTCAGCTTT  
CCCCCTTCAACTTCTTCTTCCATTTTTCTCTTACTTTCTTTTCTTCCATCCCACCCCTTCAATTTCTTCCCTATTC  
TTCCACAATCCCATACTCCACACACATATAGATATGAGCAGAAATTTGAGTCCCAGACCGTCGGATTTCCTC  
TCCTTTCCGCTTCTTCTTCCCTGCTTTTCGTCTCCGCCCTTCTGATGATTCCAGTAAAAAGATAGTATTAAC  
CTGGGAATCATCCATCCTCCAGAAGCAACACTGGTTCAATGGTTGCCATCATCCTCCTTGAATTTTGGTAGCT  
GTGTTATTATCATTTTTCTTTTCAAGTTATGGCAAAGAAGAGAAGAGAAGAGCAATATGCCCCACTTCTTAA  
ATTATTTGAAGAAGATGATGAACCTTGAGGTTGAACCTGGTCTTCGGGATTGAGAATATCTGAAATTCTAGTTC  
ACTTAAGTTTGGCTCAGAAACCATTGTGTTGGAGAATTATTGCATTTCAAATGTCTAAAAGGTGGTGAGATGA  
TAGAGTGAGTATGTTGTAAGGTTAGATTTTGTGTTTTGTTTTTAAAAAGATTGGGGGGTGGGGCATAACCTT  
GTAATCCCATATCATAATGGATCATTTTGTAAAGGAGTGCTGAAGGATACGAGTCCAGGTTTTGTAAATTGA  
TGTCATATAGCAAGTTAATGGTGAAAGCCGAAAGGGTTTGACTAAAGCCCCAATATTTAAATATGTTCCGAA  
TTTTTTAAATGTATTCTAATCTCAATGTGTAGCCCATCTAACAAAATTCAACCTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2797 BT010719|Arabidopsis thaliana At5g40300 mRNA, complete cds

GTGTAAGTATTCTTCTTCTTCTTCTTAGTAGGAGAGTCCACTCAGCTTCCATGGCAGCATCAGCATCGA  
ACTCTGAAGCAGAAATGAAAAGGGAAGAACTACCAAAATCCATGGAAGAACCACAAGAACAAGTACACGAA  
CAACCTCACCATAACCAATCAGATGAAGGCGAAAACGACAACGAATCCCATCTCCATCTCTGCTGCTCTTC  
ACCTCCTCATTCCCTCTCCACCAGCAAAGATCCCTCGCCGCCTCTCCACTCTCCCTCCATCTCCTCCGATTCTCC

GATCACACTTGTCACTCTCGTGGAACTCCTCCATTGACGACGTTCAAGGACTTACCTCCCTCCGCTAATCCTCCA  
TCTCCCAGACCTGTAGCAGCCAACCGCGCGCAGCCATCTGAGCCGATTGTTGTGACGAAGGTGGATACTGAA  
ATACAGGGGGTGCAGGAAGGTGGAAGAGGTTAGCGATAGTGATGGCGATGTAGAGAGTGCCGATGGCGGTA  
AGGTTGGGCGAGGACGGAAGTTGATGGAGAGTTTATCGATTAATAAAGGAGGAGGAATTGAGGAAGAA  
GATCTTGTTAGGGTTTAGAATTTGTGGATTTCTTCTGTTTGGTCTCGGTTTCGGTTATGGCTTCTGATAAGGA  
TCAGGGCTGGGCTTTGGATTCACTTATCGCTATAAGGAATTCCGGAATCAATTCGTTCAATGAAACCATTTT  
TTCCTATTGAAATTTCTTATGCAATTTCTTTTAACTTCAATTGAATTGGATATTCTAAAGTTGATTCAATTTGGG  
AATTTCAATAATTTGTAGGTACTGTATGGCAGTGAATGTTATTGGATTTGTTTACTCTGCACTTCAATCCTAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2798 AY042844|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

TGGAGGATTTTACTCACCATTGACTTCTCCTTCCCTTGACGGTCGAGAGAGAGAGAGGGGAGAATTATTCAGCC  
TACTGGTGTGCCCTTCGAGTTCGTGTTTGGGGTTTTCATTGTTACAGTCATCCCATGGCGCCTTCAGCTCCGTCA  
AGCTCAACCCCTGAATTTCAAATGTCTAAAAAGCCACTTGGTTTCTATGCTAACGTACTAAACACAAGGATGG  
CCTCATTCAAGTTGTTGGCCATGACTGGTATTTTCTTTTAAAGCTGTCGATCTTTGGGTCAGAAGTACCGTATCA  
ACAACCTTCAAGAAGACACTACGGCTCTCAAACAAGAACACGAAACCTTAGTCGACCGTATGAAGAACATCAA  
GCGCAGCCTCCTTCATGAGGCATCCCTCGAATCCACTGGCCTCTTTCATCCAGGCTTCGCCTTCTCTTCAGCG  
ATGAAGATTGATTGCTTTAAGTCTTCAATCTGTTCTATAACTTTGCCGCGTTTAGGGGTATCAGGTTGCTTGGC  
TTGGCGTTTGGTTTATTCGATTGCATAATTATGTGGTATGGTTTCAATAATGTTCAAGTCCACATGCAACAAAA  
GGGAAGGTTGGCAGCTGTCTGTGGGTGAGCGTTGTTTGTAGTGATTATTTGAACCTATTATATAGTTTATAGCG  
CTTCTTGCGGAACGTTTTCAAATTCTAGATTTGACGTTTCCCTTCTTTTTTATTCAAATTCTCAGAACAGGGCCT  
TTCTGTTGCTTTTGGTCGTTACTTTATGCTCAAAATGGTCTTTTTGTTGGCTAATTACTGGAAAGATTTGCCTTTT  
AACATTTGATTTCTTTCTTTTCTGTGAATTTATAAATACTCCGGCGGATCAAGAACCTAACCTTCAAAAAAAAA  
GTTATTTGAGTTTTGCTCT

>trans\_c\_2799 NM\_112675|Arabidopsis thaliana aldose 1-epimerase family protein (AT3G17940)  
mRNA, complete cds

AAAGGTATTCCAATGGCGGATCAGACTCAGACTCCCGAGCTTTTCGAACTCAACAATGGGACCGTGCAGGTTT  
TCATTTCCAATCTTGGTTGCACTATCACTTCTCTCTGTTCCAGATAAAGATGGAAAATTGGCTGATGTAGTCC  
TTGGATTTGATTCTCTCGACCCGTAAGTCTTGAAGGTTGCGCCTTATTTTGGCTGCATTGTTGGTCGAGTCGCTA  
ATAGAATCAAAGATGGGAAGTTCACACTCAATGGGGAACAATACTCTTTCGCTGTTAATAGACCTCCAAACAG  
TCTCCATGGGGGGAATGAAGGATTTGACAAGAAAGTATGGCAATTGAGTGAATACAAAAAGGGGGAAAATC  
CGTCCATCACCTTTAAGTATCACAGTGCCGATGGAGAGGAAGGTTACCCAGGAGCTATTTCTGTTACTGCGAC  
ATACACACTCACCTCAAGCACACAATGAGACTTGACATGGAGGCAATTCCTGAAAACAAGCCCACCATAATC  
AACTTGGCTCAACACACCTACTGGAACCTTGGGTGGGCATAACTCAGGGGACGTTCTCAACCATTCAATTCAAC  
TTTGGGCAAACCATGTTACTCCAGTCGACGAAAACACTGTCCCAACCGGAGAAATCATGCCCGTCAAAGGCAC  
CCCTTCGATTTCACTTCTGAAAAAAGATAGGTACCTCTATTATGAGGTTGGCATGGGATACGACCACAAT  
TATGTTCTCGACTGTGGAGACGAAAAATCAGGTCTGAAGCATGTACCAAAGTGAAGGAACCATCAAGCGGT  
CGGGTCCTGAACTTGTGGGCCAATACCCCTGGAGTGAGTTTACACAGGCAACTATGTGAATGGTATTGTTG  
GCAAAGGAGGGGCTGCTTATGGAAAGCATGCA

>trans\_c\_2800 AF097938|Populus tremula x Populus tremuloides cytosolic phosphoglucomutase  
(pgm) mRNA, complete cds

ACTGGTTGGAAATTTTTGGTAATTTAATGGATGCAGGAATGTGCTCAGTCTGTGGGGAAGAAAGTTTTGGAA  
CTGGATCTGACCATATTCGTGAAAAAGATGGAATTTGGGCAGTTTTGGCTTGGTTATCCATTCTTGCTTATAAA  
AACAAGGGAAACCTTGATGGTGGGAAGCTCGTTTCAGTCGAAGACATAGTTCGCCAACATTGGGCCACCTAT  
GGTCGTCATTATTATACTAGATATGATTACGAGAATGTTGACGCTGGAGCAGCAAAGGAACTGATGGCAAATC  
TGGTGAAACTGCAATCTTCACTTGACGAAGTGAATGGAATTGTCAAGGGAATCCGTTTCAGATGTGGCAAAGG  
TTGTCCATGGTGATGAATTTGAGTATAAAGATCCGTTGATGGTTCATCTCCAAGCACCAGGGTATTCGATAT  
TTGTTTGAGGATGGTTCACGACTGGTCTTCCGCCTATCTGGAAGTGGCTCTGAAGGTGCAACAATTCGGCTCTA  
CATCGAGCAATATGAGAAAGATCCATCAAAAACCGGGAGAGATTCTCAGGAAGCCCTTGCTCCCCTGGTGGAA  
AGTTGCTCTTAAGCTCTCAAAAATGCAAGAGTTCACCGGGAGATCCGCACCCACCGTCATTACATAAATGGAG  
TTTATACACAACCTTGATTTTTGAAGAAATAATTGTTGCTTAGCTTGCGGTGGCGCAAGATATAATCTTAAAC  
ATCACTGTAAGTGCTTCCAGAGTGTGTTGTTTGGCGGGAAACTTTAGCCTACATAAATTTTGGTGTGTTGT  
GTTAATAATCTTGATGCTTCTTGTGAAGCTCGACTAAGTTACAGAATATAAATATATATATATATACACTTC  
ATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2801 BT022104|Arabidopsis thaliana At3g14910 mRNA, complete cds

ACTGCGTAGTGCTTCGGAGTTTAGATTTGGGGACTACGAATAAGACGCGTGTTTCTCAGGCACGTTTCTTCGT  
CCTAAAGTTTGTCAAATTCGATCTCTTTCAACTCAAATCTTCATGGGTTTCTTCCATTTCATCTCCATTGAAGTA  
TTGGGATTCAAGTTCCTTTTTCCACCAATGGCGAGACGAACCTTCACGACGGAGTTAGGCTGCATAGCTTGC  
GAGGACCTTGCCGATTTTGGCGCTGGAAAGGAAGGCTGGCTCGTCGACAACCCCAATCTACTTTGTGCCCTTG  
ATTGCACTCTCTTGCGCTGGCCAATCGATCTATCATTCTTGTTCTTGGTTGGTCTGGTTCGGATGGATATCGGC  
TGAAGATCAGGCCGTCTGATTTGTCTCCGATCGAAGCGGAGTACATTTCCGCTTTAGAATGGTTGGTGTGGA  
TGAAATTAAGGTGATTTTGGTCGGGACTTCATGTGGGTATTTCTGATTTACTCCCTAAGTGGGGATTTGATTC  
TCAAACAGATGATCCATCCTGGAAGAATTCTAAAGATTAGGGTTCATGGTTCAAAGAAGGATTTATCCCATGG  
ATCTTCTTTGGAGGAGGTTTCGGTAGCTATGCCAGGTGTAATTGCCGAATTGAAGGATCTGATATTCAGAAT  
ACACTGCAAAAATGGTTTCAAGAATCAAATGCACGGTTTTGGGATCCAAAATCACAACAACAAGATATGAACG  
ATACTGAAAATTCGGTTGAAAAGTTAGCTTACCAAGTATGGAATGTCAGCAAATATGGTGCTTATGCAGATGC  
AGCAATCACTGGTGTTATGCCTCCTCCATTGATGGAAGTCCAGTCAAGTGAACGTTATTTTTGTGCAGTCACTG  
TTGGAGAGGATGCTNGTATTTTCAGCAT

>trans\_c\_2802 NM\_117669|Arabidopsis thaliana ATVAMP724 (ATVAMP724) mRNA, complete cds

CTCTCTATCCCTCTCTCTCTCTCGCTCTCGCGGAGTCCTCTGTTTCCATCTTCTCCGAGTCGACTCAGTCGCT  
CACTCACCTCGAAGAAGATGAGTCAAGACTCGTTTATTTACAGCTTCGTGGCTAGAGGAACTATGATCTTGGC  
CGAGTTTACTGAGTTCACCGGAAATTTCCAGCGATTGCGAATCAGTGTCTTCAGAACTTCCTTCTGCTAACA  
ATAAGTTCACTTACAATTGCGACCATCATACCTTTAATTTCTTAGTTGAAGATGGTTATGCTTATTGTGTTGTGG  
CGAAAGAATCTCTCAGTAAGCAGATATCTATTGCCTTTTTGGAACGGATGAAAGCCGACTTTAAAAAAGATA  
TGGAGGCGGTAAAGCCGATACTGCTGTTGCGAAAAGTCTCAACAAGGATTTTGGTCCAATTATGAGAGAGCA  
CATGAAGTATATCATCGAGCATGCCGAAGAGATCGAAAAGTTGATAAAAGTGAAGGCTCAAGTGTGCGGAAGT  
TAAAAGTATAATGTTGGAGAATCTCGACAAGGCTTTGAGAGAGGAGACAACATCAATACTCTTGCTGACAAA  
ACAGAAAGTCTTCGAGATCAGGCTCAAACCTACAGAGGACAAGGAACTAACTGAGGAGGAAAATGTGGTAT  
CAAAACATGAAGATTAAGCTAGTTGTTCTTGTGATATTGTTAGCTCTTGCTCATAATCTGGGTTTCCATTGTC  
CATGGATTCAACTGCAGCAATTAGTTTTACTGTAGAGAAACAATGGCTGAAGTGAAGAGAGAGTTTTTTAG  
CCTTTAGGCTTGTTCTATGGCTGAAGTGAATTTGGTCAAATATTAATATTATTTTTATACATGTAAGTTTCCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_2803 AY062823|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g22280; MWD9.6) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAACAGAAAAACCTACCTTGGTAGGACAATTAATTTTCATGATT  
GGGGGAATTCCTTCTACCCACAGCAAACAATTATGAACACAGGTGAGATATATCTACACATGAAAAGGCTCGTA  
ACTCGAAAGTGAACCTTACCTCAACAGTAAGTACATGACTTCCTCTCTAAAGATTGAGGGGTGCGATCCCCCTAT  
CCCTGCCACCATAGTTGTTGTTCCAAAGAAAAATCCGTACTAAAAACAGTTAACAGACAAGCTAGCAATTTGTT  
GTTGGCCATGGGCATCAGTCCTCCAATACATGAAGTCGTTGAGCTCGAGAATATGTCCAGTCAGTAGAGCTG  
TCCCGTTTGTAATGTTCTGCTCTACACTGCTGCAACTGTTGTGCGGAGGCTTCGCACAACCTTCATTGAGCCTCT  
GGATATTCCTTTCTGTGATAACAATATCTTCTCCTTAAGTCTTCTCCCTCGTCGATATATGCTGCTGCTGCTT  
CTGGGAGTTCACCGTGGTGTCAACCTCAGGTACTAGCTGTTGCCTCCACTCGAACTGCGAAGTGATAATGAGA  
ATAACGAACAAAAACACAAGTAACATGGATCTGGACATCATTACAAGAGGTTATGAGAATAGAGAAAACCCT  
AAGTTCATGATCAAAATTGGCGTAAGATAGTGAATCAGAAAGCGGTTGAGCAGGGGAAGTGAACAGTGTGG  
ATTGCTTGGTAACGAAGGAAGGGGAAGATGGTTAATAGGAGCTTTGATCGAAGTCTAAATCGGTTTGAGGAA  
GAGGTTTGGGAATATGGTAAACGGCTTCTTTTGAGATTTTCAGGACTTGCACCCATCGCGAACCAACCTCTCGCCG  
ACAAACTACAAAGATGATGCTGATTG

>trans\_c\_2804 EU661927|Glycine max NAC domain protein (NAC34) mRNA, complete cds

TACTATATTATTATTCTTCATAATTCTAAATTTTTCCATCTCTTCTCTCTCTCTCTCTCCCCCTATTTCCCTTA  
AAAAAAAAGAAAAAGAAAAGAAAAAGAAACAATGGAAAATAATAATAATAGTAATATAAGCATGGTTGAA  
GCAAAACTTCCACCTGGATTTAGGTTTCATCCAAGAGATGAAGAATTGGTTTGTGATTATTTGATGAAGGAAA  
TTGGGTCTGATTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCTTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTCTATTGATTGAAGTTG  
ACCTCAACAAGTGTGAGCCTTGGGATATTCCAAGAGAGGCATGCGTGGGTGGAAAAGAGTGGTACTTCTTCA  
GCCAGAGGGACCGTAAGTACGCGACTGGGCTTAGAACAAACCGCGCCACAGCCTCTGGGTATTGGAAGGCC  
ACTGGCAAGGACAGGCCTGTCTTTCATAAGGCTAATCAACTCGTTGGGATGAGGAAAACCTTGTTTTCTACC  
AAGGAAGGGCCCCCTAAAGGCCGAAAAGTGAAGTGGGTTATGCATGAATTCGTTGAGGGTCCATTTTCTCC  
TATTACAGATCCATCTCCAAAGGAGGACTGGGTTCTGTGCAGATTGTTCTGTAAACAAAAGGAAGTTACCCCT  
CAACCGAGCACTGGAAGCAGCAGCTGCTACAACGACATCATTGCATCGTCGTCGTCCTCTCCAGCTTTAATGG  
ATTCATACATCAGTTTTGACCAAAACCCAAGTAGTCATTTAAATGAGTATGAGCAAGTGCCTGCTTCTCCATT  
TCTCTCAAAACCAAACCATCCCAACTCTCACAAGCCTCATGCAAATGGAGGCAAACACAGGCAATAACATCAA  
GAACTTTAGCACCACACCCAAGAAC

>trans\_c\_2805 NM\_001050728|Oryza sativa Japonica Group Os01g0739000 (Os01g0739000)  
mRNA, complete cds

AGCCACCATTGGGGTTTCTTTGAAAACCAAACCTCGAGGGAGAAACTAAGGCGAGCCTCAACCTTTTCTAGGGT  
TCACTGCCACTCAGCTCCACCATGCATAGAATCGCCGTTTACGACTCAGGTCGCTCAAGAACCATGCGGCCA  
ATTTGGGGGCTCTAGGTTTGCAACATCCAGTGCAGTTGCTACGAGACCAACGTCTGGAGGGTTTTTTAGCTG  
GCTCACTGGAGAACGTTCAAGCTCTCTTCTCCCATGGAAATACCTCTATCTGGCATTAACTCCCACCACCAT  
GCCTGATCACGTTGAACCAAGCAAAACCAAGATTACAACTCTTCTAATGGTGTGAGAATAGCTTCAGAACTT  
CTTCGAACCCTGCAGCCTCTATTGGGATATATCTTGATTGTGGTTCCATATATGAGACCCCATTTGTCTTCTGGA  
GCATCACATTTGTTGGAAAGGTTGGCCTTCAAGAGTACAACGAACCGAAGCCATTTGCGCATTGTTAGGGAAG  
TAGAAGCTATTGGTGGCAACACAGGTGCCTCCGCCTCCCGGGAACAAATGGGATACACTTTTGATGCTCTAAA  
GACATATGTTCCAGAAATGGTGGAACTGCTAGTAGATTGTGTGTCAGGAATCCTGTATTTTTGGATTGGGAAGTC  
AATGAAGAGCTGCAAAAAGCTAAAAGCAGAAATTGGGGAACCTTGCAAATAACCCACAGGGCTTACTCCTCGAG  
GCAGTTCACTTCTGCTGGGTATTCTGGTGCACCTTGCAAATCCTCTTGTGGCTCCAGAGTTTGCTTAAGCAGATT

GGATGGCACCATCTTGGAGGAATTTATTGCTGAGAACTATACTGCTCCTAGAATGGTGCTTGCAGCATCAGGG  
GTTGATCATGANGAGCTTTTATCCATTGC

>trans\_c\_2806 NM\_001035851|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein (AT1G01490) mRNA, complete cds

TTTTTCTCTCTCCTACTCTGCCAATTCTTGTTTGGACTCAAAATTTTCCTCTTCTCTCTTTTTTATTTGGTACTACAA  
AGGCTGCCAAAAAATAAACCTCACACTCTCCATCTTTTTCAACAAAAGCATAATTCTACTTGTGCTCTTCATCTT  
CTTCATCTTCATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCATCAATAACCCATTTCTTCTTATCCTTTTTCTCTTCAATCTT  
CATCCATTCATCTCTCTCGCAATAAACTCAACAGCCCCAACTATGAAGAAGTTAATATTGAAATTGGATTTACA  
TGATGACAAGGCCAAGCAGAAGGCTTTGAAGACAGTTTCTACACTTTCAGGGATTGATTTAATTGCAATGGAC  
ATGAAAGAGAGAAAGCTAACAGTAATTGGGACAGTGGATCCGGTGAATGTAGTAAGCAAATTGAGGAAATA  
TTGGCCAACACAAATAATATCAGTAGGGCCAGCAGTAGAGCCCAAGAAGGAAGAACCAAAGAAGGAGGAGC  
CCAAAAAGAGGAAGCAAAGAAAGAAGATGAAGGCAAGAAGGAGGAGCCAAAGAAAGAAGGAGATGACA  
AAAAAGACGAAGCAAAGAAAGACGAGTCCAAGAAGGAAGATGACAAAAAGACGAGCCGAAGAAGGAAGG  
TGAAAAAGAAGGAAGAAGAGAAGAAGAAAGAGCAACCGCAAGTGGCTGTGCCAGTACCAATGCCGATGCAG  
ATGCCAATGCCGATGCCGATGCAAATGCAACAGTATGACCCAAGAATAATGGAGATGGTTAAGGCTTATAGA  
GCATATAACCCTCATTTGACCACTTATTATCATGTTCAAAGCATGGAAGAGAACCCAAATGCTTGTGTTATTTG  
TTAAGTTCTACTTTTCTATCTATGGAGCCTTTT

>trans\_c\_2807 NM\_001063832|Oryza sativa Japonica Group Os06g0251700 (Os06g0251700)  
mRNA, complete cds

CAGACTTCAAATGGCTATTTATCCAGAAGAAATACAACTCACACACAGGGTCGCTCCAATCAAATAGTGCCA  
GTGCATTGTTGAAGACCACAAAGATCTCTTAGATCATTTGACGGTGGTAGATCACTGGAAAGAGACAA  
ACTTGTACAAGATGTGGTGGTAAAAAATAATTCAACCAAAATAACCAAGTGGTGAGATTCAATTTTCTGAGACA  
ACTGCTCCATATGAAGAGAAATGAAGATGGTATTGGAATTGAGAAAACAAAACAGAGCAAGAGGATCTTGTT  
TCTGGAGCATTGTATGACATGTTACAGAAAGAAGTCATATCTCTTAGGAAAAGCTTGCAACGAAAAAGATGTAA  
CCCTCAAAGACAAGGATGATGCAATTGAGATGTTGGCAAAGAAGGTCGATACTTTGAATAAAGCAATGGAAG  
TCGAAGGAAAGAAAATGCGAAGAGAAGTAGTTGCAATGGAGAAGGAACTTGCTGCTCTGCGTGTAAGCAGG  
GAAAGCGATCAAAGGCCACGACGCCAGAGTGCTCCCAGGGGGGCTGTAGTTAGCTCTCAGTCGCTTCCTGTC  
AAGAATATCCGAAACAGATAGGGCGTCAACATGGGAATAAACATTGATGAAATGACTTCTTATCGACTGTATT  
GTCAATATAATTGTATTTTATTATGTCATAAACTCTGCTCTTCCTTTGGCCCTTCTCATTTGAGCAATCTTGCT  
AGTTTTATCTATTTGTAAAGAACTAACATGAGTTTTTTCTAGGAATTCATCCTGTCCTGTATTTTTGTACCAT  
TGGTATGAAGAACAGAAAAAATAACAAGTTAAAGGGGATGCCATGAATTTTATGTGTCAGGTGATTAATAA  
CTTTGTAATCTGTCCTCTAAGAAGTGGATTGAA

>trans\_c\_2808 AY874441|Daucus carota ADP-ribosylation factor mRNA, complete cds

ACATTCTCTTCCACCTCTTCAATTTACCTTTTTTTCTCTATCTAAAAAGTAAACGAATCAAACAACTTCAAACC  
GTTTTCTCTTCATCGTTTCTTACTTTAGATCGGGAGCAGTTTAAACCCACAAATCGGAAGAACATGGGTCAAG  
CTTTTCGAAACTCTTCGACTCATTTTTCGGCAACTCTGAGATGCGGGTTGTCATGCTTGGCTTGGATGCGGCT  
GGCAAGACAACCTATATTGTACAAGCTGCACATTGGGGAAGTCTTATCTACGGTTCCTACAATTGGTTTCAATGT  
GGAGAAAGTCCAGTATAAAATGTCGTGTTCACTGTTTGGGATGTTGGAGGACAAGAGAAATTGAGGCCGTT  
GTGGAGGCACTACTTCAATAACACAGATGGGCTGATTTATGTGGTGGACTCCTTGGACCGAGAGAGAATTGG  
AAAGGCAAAAACAGAATTTAGGCCATCATTAACGATCCATTTATGCTGAACAGTGTCAATTGGTCTTTGCGA  
ATAAGCAGGATATGAAAGGAGCCATGACGCCAATGGAAGTATGTCAAGGACTTGGTCTATTTGATCTCAAAC

ACAGAAAATGGCATATACAAGGAACGTGTGCTCTCAGAGGAGATGGACTTTACGAGGGTTTAGACTGGTTAG  
CTGGAAGCTCTCAAGGAGATGAGAGCTGCTGGATATTCTTCAGTAGGAACATCATTTTTAAAGAGATACAAAAG  
GTCCAGGTTGGCTGGTCGAAAGCTAACTCCAGTTCACTTGACAGATCTCAAATTGTAATCAGAATGTCTTGTTTC  
CCTTATCAAACCTGAAATTATCAGGTGCCTACTCTTTGGCCTTGACCTTGCGAACGTTGACTGGCTAGAATGTA  
ATATATATAAAATTCAAAAGTGGAGGTCT

>trans\_c\_2809 NM\_179318|Arabidopsis thaliana alanine racemase family protein (AT1G11930)  
mRNA, complete cds

GGAACAATCTGGAGGAGGAGCAGGAAGATTCTGTACGGACATGGCTTCCTCAGCCGCTATAGAAGGCGCCA  
CACCGGCATCCGCGGCGCTCAAGTCTGTGCTTGAGCGCTTCAGCTAGCCGCCGAACGCTCCGGTCGTGTACC  
TCAGCAGATCCGAGTCGTAGCTGTTAGCAAAACAAAGCCGGTTCCTCGTCAAGTCTATGATGCTGGC  
CATCGATATTTTGGCGAGAATTACGTTCAAGAACTCGTTGAGAAAGTCCTCAGCTTCGGGAGGACATTGAGT  
GGCATTTTCATCGGAAATTTGCAAAGCAACAAAGTGAAACCACTGCTGTCTGGCGTTCCAAACCTCGCAGTCGT  
AGAGACTGTGGATGATGAAAAGATTGCTAACCGTTTGGATCGGATGGTTGAAAGTATTGGGAGGAAGCCTCT  
TAAGGTGTTTATCCAAGTGAATACAAGTGGAGAAGAATCAAATCAGGCGTTGAGCCCTCAGGGTGTGTGGA  
GCTCGCTAAACATGTTAGTTTGAAGTGCCTAACTCTCAATTTTCCGGGCTAATGACAATTGGAATGTTAGATT  
ATACGTCCACACCAGAAAACCTCAAGTTATTGGCCAACTGTAGAACGGAAGTTTGCAAAGCACTCGAAATATC  
AGAAGAACAATGTGAGCTATCAATGGGAATGTCAGCAGACTTCGAACTAGCTGTTGAAATGGGAAGTACAAA  
TGTGAGGGTTGGATCAACAATATTTGGAGCGAGGGAATACCTCAAGAAAAAGTGAATTTGAATACTAGAGA  
TCTATGAGCTTCATTTTGATGGTACGGTCTTTGTCTATTATTATATACTGACCTTTGAATAAAATATCATTCAAG  
AAAGCATCAAACCTAACTTCAGAATATTTTCTTTT

>trans\_c\_2810 XM\_002885775|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SNF7 family protein, mRNA

CCTCCATGGCAAGAGAACATCGCTGTTGCCGGTGACATCGTGGACGGACTTTGAGCAGGGAGAGAGTTGCAG  
AGTTGCAGAGTTACAGAAGGAGAAGAGAAGAAGGGGTAAGCTCATCGGGATCGGAAATTCCACGTATCTTTT  
AGTTTTATCAATTGGCGGACAAGTATGAGCTTCCTCTTTGGCAGCCGGAAAACTCCCGCAGAGCTTCTGCGGG  
AGAACAAGAGGATGCTTGATAAGTCCATTAGAGAAATTGAAAGGGAAAGACAAGGCTTGCACTCTCAGGAA  
AAGAAGTTGATTGTCGAGATAAAGAAAAATGCTAAACAAGGACAGATGGGAGCTGTTAAATAATGGCCAAA  
GATCTCATCAGAACTCGGCATCAGATAGAAAAATTTATAAACTGAAATCACAGCTCCAGGGTGTGGCTCTGA  
GAATTCAGACGCTGAAATCAACTCAAGCTATGGGAGAAGCCATGAAAGGTGTTACCAAGGCAATGGGACAGA  
TGAATAGGCAGATGAACTTGCCGGCATTACAGAAGATAATGCAAGAGTTGAGAGACAGAATGAGAGGATG  
GAAATGACATCTGAAGTAATGGCAGACGCCCTTGATGATGCATTAGAAGGAGATGAAGAAGAAGAGGAGAC  
AGATGAGCTTGTAATCAGGTGCTGGATGAGATAGGAATTGATATCAACTCAGAGCTTGTAATGCACCCTCT  
GCTTCAGTGTCAGTATCAACTGCAAAAAATAGGGTTGCACAAGCAGAAGCCGAAGATACCGGAATCGATAGT  
GATTTACAGGCTAGACTTGATAACTTGAGAAAGAGTAGGTTTTTATTATGAGATATTAATAACACTCTTATAAT  
ATACATAATAAATCATGTATTGTGTTTATATTTGAAGTCTATT

>trans\_c\_2811 Novel Gene

CTTAGACTTCGAATCTCTCATATTCTCGAGAGCGTTGCGTCGGTGAATCCGATGGATCGAACTCGGATAGTTCT  
GTTAGGGCTTCCGATCTTTTTGCTTTTCACTGATATTGTGAACCTTTTCACTCCTCCGCCTCCGAAACCTGCTGC  
GAATCATCCTCCACCTCGGGTTCACTACCAGCCTAAATCTCAATCGGTATCCAGGAACCGCTTGAATTTCTTA  
CCGAGAAACGGAGCGTAATCGGAGGAATTGGCCAGGGCAGCGTTATTAATATCAACTTCTGTGTTTCTTGTTT  
GTACAGAGGCACTGCAATAAACATGAAAAATATGCTGGAGTCGTATTTCTGGAGTTGAAGTTATTTGGCA  
AATTATCCGCCACCATTCCCAAAGCGCCTTCTTAGTAAAGTAGTTCCCGTGGTTCAATTTGGAATTATTGGAAT

AATAGTGGCAGGGGAACATATTTTCTAGGCTCGGGATGGTTCCTCCACCTTGGTACTATTCTTGCGTGCAA  
ATAGGTTTGAAGCATTGCAAGCACTTGGCTGTTTGGAAATTTGTCCAGTCGTTCTTACAAAGTTCCGGAGCC  
TTTGAAGTATATTGCAACGGTGAAATGGTCTTTCTAAGTTGAAGGAGCAAAGGTTTCTGGTGAGATTGAGT  
TGAGAGATCTTATTGGAAGGAACTTTCCGGGTCAAGATTTGTTGACAATTCTGGAGGAGTTTGGTCATAGGT  
ATGTGATTTCTTGATCATTGCCATCAAATTAGCAACTGGTGAAGTCTAGTAGTATAAATAAATCTAATTCAA  
GTTCATAATAGCCAAGGGAGGAGGAGCTTGTCTTTGAGAGATTTCAATTTAATGTGCCTATTTAGCCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2812 EU714066|Thellungiella halophila ST5-18-3 mRNA, complete cds

TTTCGGATTCAATCGTAAATGCACGCGGCTTTGGTTGAATTTCTTTTCTCCTCCTTCCCCCGCGGACGGGAC  
TAATAAGCACTCCCAATTGTGCACGTGCCCCGGGACGCCGCCCGCGGACATTTCTCCCTCAAACCGCTGCCT  
TGCTCCACCACCGCCGCCCATACATCCAAGTAACTTCTCGATGATTAATAAATCTCTCTCGCCCCCTCTAAAG  
TGGGGGAATCTCACCGACAATATAGTTGGAGTAATCAGCAAAAGGTTCCAGTAGGTGATTGGAACTATCTG  
GGAGGGATCGGAAGTAATGGCAAGCGCACCTGCTCAAATTCCTACCAGCTTCGGGCATGAGCTCCGAGCTTG  
TCTTCGTTGTCGTCTTGTCAAACTTACGATCAGTTTCGAGAATCAGGCTGTGAGAATTGCCCTTTTTCAAGAT  
GGACGAAGACCATGAGCGTGTTGTAGAATGCACAACCCCTAATTTAATGGGATAATTTAGTCATGGATCCT  
GCCAGAAGTTGGGCTGCTAGATGGCTGCGAATTGGAAGATTGTTCCAGGTTGTACACTCTTGCACTCTCAG  
AGGCTCTCCCCGAGGATTTGCAGAATTTATGTGAAGAGGAGCGCGTGCAATATGCACCACCAAACGTGTTTA  
ACCTTATGTTAATCTCTAGTTTCTTCTGATTACAAAGAATTCCACCTTGTCATGTACTAGTATTCTTAATTGAAC  
TAGCATTTAGAGTGTGTTGTTCTTTGATTAAATGAACAGAAGGTATAGTTGCTAACACCTTGCACTCTACATT  
TTTATTTGCTTCCCTTGCGTATCTTTTTGCCTATTAATAACATAATCCCGGTTTGAAGCATTTGGAACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2813 XM\_002869386|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxidoreductase/ transition metal  
ion binding protein, mRNA

AAGCTTGTTAAAAAGATCATTTCCAATTGTTTCGAACTCCCCTTTCTTTCCAGATTTGAAGAAGATTTGATCTTT  
TAATCTTTTCATCGCTCAAGGTTTTCTTCAAGCTCCGCAGACACAGAAATGATTGTCTTGCAATTCCACCACTCCA  
TTCTCTCGCCGATTCGTCTTCCCAGCACAACAATTGGCGCTAAAATTTCCCTCCCAACCAACTATTTCTTGCCCCC  
ATACACCCTCTCTAAACCCCTTCACCGGAATTTTCTATCCAGTGCTGCCCGTGACAAAAAATCGGAAATTTACA  
ACATCCCCTCCACTGAAATCGAGGTGGTGGATGAAGAACGTGAAGATTATGATGATGGGGACGACAGATTTT  
GGAGTGAGAGTGGATTTAGAGGAAGAGAAGAAGAAAAGGACTATGATCGAGACCCTGAATTCGCTGAAATT  
ATCGGAACTAGTCTTGATGATCCAGAGAAAGCTCGGTCCAAAATGGAAGAGAGGCTGAGGAAGAAAAGAAA  
CAAGATACTCCAACCAAAGACAGGATCAGCTGTTCCAGTAAAAGTTACATTCAACAAGTTGATTTCTCAAATT  
CATATATATGGTTTGAATTCTACAACACTCCACTGGCAAAAGATATCACCTTAATTTGTGATACCATAAGGTCA  
TGGCACATCATTGGACGTCTTGGTGGATGCAATTCATGAATATGCAGCTGTCTCAATCTCCTTTGGATAAACG  
ACCGAGTTATGATGCTATTCAGGGAGCTAATGTTACTCCAACCACATTTTATAACATTGGGGATTTTGAGGTTT  
AAGACAACCTGGCTCGCATATGGGTTGATATTGGGACCAGCGAACCTTTGCTTCTAGATGTTTTGATAAATGC  
ATTAACCCAAATAAGCTCTGACTATG

>trans\_c\_2814 AC002986|Arabidopsis thaliana chromosome 1 YAC YUP8H12R sequence, complete  
sequence

AGGAAAAACAGTTGTGGCCGTGAGTTTCCTCCCGAACGAGACCTGCAACCCAACCTCGAGAAAGAAACCCA  
TTGTTGCGTTTTTCTGCAGTTGGTCTGATGCTTGGTTTCGAACGCATCTCCATAGCTCCCGGTTCAACTCTCTCT  
AATCCAAAACCTTCGTCCGTAATCTCGGCCTAGATATACAATGCTTCATCGTGTTGATCGCTACGAGGATTTCA

GTTGTTAACCGTCAGCCGTTGAGGGTTGGTGCATCACAAAGGATTGAAAAGGATAGAGATGAACTAGAATGA  
GTAGATTGTCATTACAGGCCTCGTCCGCTTGACATTCACAAGAACTCCCTATTGTCAAGTCTGTGAAAGAATTG  
GAAGATGAAGAAACCCCACTTCTACCCGAAATTCCCACTGCTTCGTGTTGCGGCCGAGGTAGATAACGAGG  
TACATCAAGTGCCTTGCAAGAAATTGGCTCCTGATATACCCACTCCTCAATTTGTTGTTGTTGATACTTATGAGA  
TAGACTACTCCCGCACTTTTAGTCAACCAACTTCTACTTACGTGGCGGAGGAGGTTGGTGACATATGGAGTA  
CTGCTACTGTAGATATTTTTAGGCTCATTAACTTTTGTACCATTACCATTCCCGCGTGAATATGTACACATACTC  
TGTATTTGCAGCTCGGACAGAGCTTGGAGAGTTTGTGAGTATGACTTGGACAATGAAGACGAGGATTGGCT  
TCATGACCTCAACAAAGAAAGAAAGATACTCACTCCTGAGAGGCAAATTTCACTTGGTTTTGCTTGAGGAA  
ACGTTATCTAACATCTTGTAGTTGCCACTCCAATGATCATATTACTGGCTAATGTTCTGAGTTATATTTGGACT  
CTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2815 AB331959|Glycine max mRNA for peroxisomal 3-hydroxyacyl-CoA dehydrogenase-like protein, complete cds

ATAGCAAATTCCTACTGGAGGCTAATCGGATGCGATTGTTTCATCGCTCCCTGAATTGGGTTTTCTCCATGACG  
GAAATCAAGGCCATTGGAGTCGTGGTGGCGGTCAAATGGGCTCTGGAATTGCCCACTCGCCGCCACACAC  
GGCCATCAAGTTTGGTTAATTGATTACAGACCTGCCGCTCTTGCTAAAGCAACCGACTCCATTTCTTCTCAATC  
CAACGCCTGGTCTCTAGAAACCTTCTCTCGAGAAATTGGTGCCATTGCTCTTCAACGTCTAAAATTTCACT  
GATTTAAAAGAGCTTCATTACAGCAGACGTCATCATTGAAGCTATCGTGGAATCAGAAGATGTTAAAAGAAAGC  
TATTTGTTGAATTAGATAAGATTGCAAAAAGGTCTTCCATTCTTGCTTCTAATACAAGTTCCATCCCAATTACTC  
GCTTAGCATCGGCAACCACACGTCCTGAGCAGGTCATTGGCATGCATTCATGAACCCTCCACCTATAATGAA  
GTTGGTTGAGATTGTGCGAGGTGCGGATACATCCGATGAAACGTTTGATGCCATAAAAAATCTTGGCTGAGAG  
GCTTGGTAAAACAGTGATATGCTCTCAAGACTACTCTGGCTTCATCGTGAACAGAATCCTAATGCCAATGATTA  
ACGAGGCGTTTTTCACACTCTACACGGGAGTGGCAACTAAGGAAGACATTGACACAGGAATGAAGCTAGGAA  
CAAATCATCCCATGGGTCCCTTGGAGCTTGACAGACTTCATTGGTTTGGATGTTTGTATCAATCATGAAGGTT  
CTTCATTCTGGGGCTTGGTGACAATAAATATGCTCCCTGCCCTCTTCTCGTGCAGTATGCTGATGCTGGTCGTTT  
GGGAAGAAAGCGGGGAATAGGTGT

>trans\_c\_2816 HM122592|Malus x domestica HSF domain class transcription factor (HSF4) mRNA, complete cds

ATCGCTCATTACTTCAACAAGAATCTCGTAAAAAGTCCATACTTTATCCTAACCGTTCAATACAGATCCATTTGA  
TCATTCTCTCACTGGTGGACCTGATATTATGCCACGTCTTCTCCTCATCACTTTATTTTTGACAATTTATCCTCT  
CTGATTTGACTACCCATCTATCCGGTGGTTGAAGCCGCAGAGTAGTATCATTCTCCGCCGTCTCCGTCGCCCCC  
TCCCTATATTCCCTCGCTCGCTTACGCCGATCTGATTCTCTCCTCCTTACCTCCGCCCTTCTCTTCCAC  
GGCTGGCCGCTTACCGGGAAAAGATCGAGCGATTTTGCCGATGCCAAAACGCTCTCCCTCACTTGAAACTG  
CTCTTGAATTGACTTTCAACGAAGCTCGACATCAACGAGAAGATGTTATTGCACAAAGATTTACCTCAACCAA  
TTGTTCCGTGAGCTGAACTTTCTCTTCTCAGCCGATCGTTCTCATCAATCAGCTCTGCAAGAGCTCTCGTTGG  
AGTCTCATCAGACGAAATCACTTGTTCTTACCCGAAGAATTTCCCGTCAATGGCAATAGTTGGACAGACGGA  
ATTGCTGAAGACCAACGGTTGTCAACAGCCGCGTTAGAAGCAGAGGACGGAACCGGACCGGCCAATTC  
CGACGCTGAATCTACAAAGAAGCTGTTTCTTGCTTTGCGAAAGCACTCGTTGCGGAACTCCCAACGATCCGA  
TACAACCTTTCTAAATCCCTAAAACAGAAAAAAAAAAAAATCCAGAATGAAACACAGATCCACCACCGCTTAG  
AAAGGAACATCAATGAAATTGAAATCCAGTATAGGATTGATTACATAAGTATTGAGCTGACGGAGAAAGCTG  
GTGAAGTTATTATGTTTGAA

>trans\_c\_2817 X14020|Pea mRNA for plastid ribosomal protein CL24

TTGCTATTTTGCAGTTTGAATTGCTTATCCATTTGTGAAGCTCTCCAATACTTCTCAGTTCTCAGAGCCAAGC  
CTACAGCACCAAAAATGGCAGCCATGGCTGCGCTTCAGAGCTCCATGACCGCTCTTCCCTCTCTTCCAATTCCT  
TCCTCGGCCAACGCCTTCCACCGCCCATAATTTACGCTGCGCCCATAACGTCAAAAGAGAAGCCATGTCTCATA  
GTAATGAAGCTTAAAAGATGGGAACGGAAGGAATGCAAGCCAAACAGCCTTCCAGTATTACACAAAATGCAT  
GTCAAGGTTGGAGACACAGTGAAAGTTATAGCTGGTCGTGATAAGGGAAAAATTGGAGAAATCACCAAAATT  
TTTAAACATAATAGCAAAGTGGTAGTGAACGAAATAAATTTGAAGACAAAGCATGTGAAGAGCAGAGAGGA  
GGAAGAACAAGGACAAATTATTAAGATCGAAGCACCCATCCACAGCTCCAATGTGATGCTTTACTCAAAAGAG  
CAGAATGTAACGAGCCGGGTTGGTCACAAAATTCTTGAAGATGGAAAACGAGTACGTTACCTCATAAAAAT  
GGGGAATAATTGACAGCACTGAAAATTGGAAAAAATTGAAGGAAGCGAAGAGCAAACTGAAGTGGCTAC  
AACTGCCTAAGAATCGGTTTTCACTGTACCTACCACTGATGTAGTTATGTATCTTGAAGGGTATTTCAATAGC  
CTGTTATCTTTTTTTAGCAAATATTTTTGTTGCGTTCTTTTTGTTTCATTGATGCATAGTAAAGTGATATCGCGTT  
GGTAGTTTATTGTTATCGATAATCTATAACATATTGAGACATATATATATATATATCCTCAATTATTCTAATAG  
ATTCATCAAAAAGATATTAGGAGAAAAAA

>trans\_c\_2818 AJ313509|Lycopersicon esculentum mRNA for protein tyrosine phosphatase  
(ptpkis1 gene)

AGTCGTAGGTGAATGCATCAAAATCCCTTATCTGAGCTCGCAAATGTTCAATATCATCAAACGTCTTTGTATA  
TGCTATTATAGCACCAATGTCAACCCCAAAATATCTTCCGATACAGTGAAAGGAATTCAGCAGTTTTCACTTT  
ATTGATCAAACTCTACTTTTGTGAAATATTGGAATTTCTCAAATATTAATTATTGAATAAAAAATAAGAAAATAA  
AAAAAATAGAGTACATGAATTAATGAAATTTATGAAAGAAGATATTAACAGAAATGAAATTTGGATACTCT  
AAATCTGGATCTTGCTGCAAGCAGAAAATTGTTCTTACTCCAATGCTGCGGAGCTTGTCACATCTTCTGGAGT  
CTGTAGGCATGATCCTACAATTAATCTGGACGAATGAAGTTGTAGTTCATTCCCAGCTCATGCCTATATGTCA  
ATACAGCACCCATAGCTTCTGTCATGTTATGGCTATATATTTAGATTTTTCTCCTTTTCTCGGCATCGTCCAC  
TTCTGTACCACTCGTTTCGGCACTTGATGTAGAACCAGACACTGCCTTCGTGGAAGAACGTCGATGTAGATCA  
GTAAAGTTTCTTATCACCAGGTTAGAGAGCTGGAATTCAGGCTTTCTCTGTCGGCATTGGAAGCTCCGGAAGG  
GAAGAGAAGATGATATTGAAAGGTTTTGAAGACAGTTCATGGCCGATGCGATCGGTGCGCGGTGCACGATGA  
AGCAAAATCAGCAGAGCTCTAAAGCAGGTATTGAACTTTGGAGTTCGATCAATGCGTTGGTTCACTTTACTT  
AGCTACACAGCATAGTTTCGATCACGTTCTGTGAATCTCAGAGGATATGCCTTCCCGTGATTGATATTTCTTCC  
CCAATCCGATCTTTCCTTTGAG

>trans\_c\_2819 NM\_118122|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein  
(AT4G20030) mRNA, complete cds

GAATTCGAGCTGTGAGGTGCGATCGATCGATCGAACGAGCAAAGCTCCAGGACGTGGACTGAGCAGATTTG  
GGCTCCAACATGTGGGCGACAACCGTCTCCTTACCTTCAATTTCAAATCTTCGGGGACCCGTTTTTCCGAATAA  
TCCGCTTGTGCTTCCAATCGCCCATCTCTGAATCTTCGAGCTTCTTTCTTTGATTATCCTCTTGCCAGTAGACTC  
ATGGTTAGAAATTTACCATACTCCACCAATGAGAGTGCAGTCAAGAAGAATTTCAAATTTTGGTGAGATTG  
CTGAAGTGTTGTTAGCAAAAGATCGATCAACAAAAAGACCAAAAGGATATGCGTTTATTCAATACACTTGCCA  
AGACGATGCGATGCTTGCACTGGAAAAATATGGATTGCAAGATATTTGATGGAAGGACGATCTATGTGGAAAT  
TGCAAAACCTGGTAGCGTTCTTTGGAGGATACCCAAGAACCTCTGGACCCCAAAAGAGCGGCCTAACGT  
GGAGCAAGAAGATATAGCAGATTGTTGGTATTGAGCTTCTTTTTCTGAGAAGCACAATATTTATATAGGAAA  
GAGATGGCTTGACAGTTAATGACAGTTATGCCCAATGAGATTTAGATCAATTTCAAAGAATCTATGAGTGTTT  
GAAGTGTTTGCTGAGATGGATTCAATTCATTTATTTTATAGTTCCAAGCGTTAGATGCTGATAAGATTGTGAA  
GCTCTTCTCCTGTATTTTGTAAACAGGAACAAAATATCTGTATTTGTAAATACACTGTTTAGGACACTTTACTGCA

TCTCGCAGTGCGTATTGCTTTTTGTAGCGTTGCAATTCAGATTGTGGAATATGCGGAAAATCGTAAAGCAAAT  
ACCTTTACAAGTACGAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2820 NM\_001056989|Oryza sativa Japonica Group Os03g0439700 (Os03g0439700)  
mRNA, complete cds

GCGGATTATCCGATGAAAGGCTCAAAACAATCCACGCATCGACAAATCTTTTTCCAAAACCCCAAATTCTCAAC  
GGGTCGCTCCCATTTTCTTCTCCGATAACCTCACTGTAATTGGAGAACACTCTCAAGTAGATGCTTCGACTTAA  
TCTGTACTGCACCAGTTGCTGCTCTCTGATTGCAATAATAAAAAATGTAACGACCTCTTTTCGATTTCATTAAG  
GCCAAATCGGAGGCTGAATCCACGGGTTTTGGCCAAAGCCTTGAAGGATGATCAGACCGACGGCGGCGGTG  
GCAGATTTTCTGGCCAGAAATGGGACCCTGGCTTGAAATTGAAGTCCCCTTTGAACAACGCCCGGTGAATGA  
ATACTCATCTCTAAAAGACTCGACATTTTATTCATGGGGGGAGCTTGAGCAGGGCCTTTCTTCATTCGCCTTG  
GAGGGCTTTGGCTAGGAAGCTTCATAGTGTTAGGAATCCCTGTTGCGGCCGCAAGCTTCAATCCTTCGCGGGA  
ACCTTTGCGATTTGTGCTTGCTGCTGGAATTGGAACCTTCTCCTCGTTTCCTTGATTGTCTTGAGAATATATCT  
GGGTTGGAGTTATGTGGGAGATAGGCTGTTGTCAGCAGTCATACCTACGAAGAGAGTGTTGGTATGATGG  
TCAAATGTGGGTCAAACCACCCGAGGTTCTGGCTCGAGATAGATTGTTAGGATCTTACAAGGTTAAACCAAGTG  
ATCAACATGCTCAAACAACTTTAGTTGGAACAGGGATTGTTCTTGTCTCAGGTGTATTATTGTTCATATTTGCT  
ACACCAGTAGAGGATTTTCTCAAACCACATTTCTCAAACCAAACCTTATCATCCAGCATTAAATCCAGATTC  
AACATNCACAAAAAATACAATTTA

>trans\_c\_2821 XM\_002885056|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutaredoxin family protein, mRNA

ACCAAGTCACATAGCCAACTTCTTACCATCCCCACAATCATATTTAATTTCTTTTATTCTCCCTTCTCCATCCTG  
CCGCGCTAAATTTTTCTTCTCCTCAACCTCAAGATTATCTAATTGGGCGTTACTCTTACAATTGGAATGATGGCA  
AAGTCATTATCAAACCTTACTCTTCAAGGGCTTGGCAGGTCTGCCTGCTACTCGCACTAGCAGAATAATGGTGCC  
TGGGTAAATTACCAGCATGGAATGAGATACTCGACGACTGTACCTAATGAACCTGATACCCATGACGATTTT  
AAACCTACTAATAAACTTGAGAGTTCTGGCCTTTCTTTGAAGGATGTTGTTGAACAGGATGTACGACAAAATCC  
TGTGATGATTTACATGAAAGGGGTGCCGATGTTCTCAATGTGGATTTAGCGCTCTTGCTGTTAGAGTGTTG  
AAGTTATATAATGTACCTTTGAGTGCTAGAAATATCTTGAAGACGCTGAGCTTAAAAGTGCTGTGAAATCCTT  
CAGCAATTGGCCAACATTTCCACAGATATTCATAAAAGGAGAGTTTATTGGAGGATCTGATATCATACTCAATC  
TGCATCAGTCTGGAGAATTGAAGGAAAAGCTCAACGATATTGCAGCCAATCAGAAGACTGAATAAGTTCTAT  
GAAGATATGATTAAACCCATTTTTCTTCTTTTTTTGTTTCAACTGTGAGAAGATGAGGCTGAAGGTTATTAAT  
GTTTGTTATTAGCCAAATCTCTTTTCTATACCCATGGACGGTTGTAGTCAATCATTACCTCTCTTCTTCTTCTT  
TTTTTTTTTTTTTTTTTAATCACATATATTCTTAATAAATGTGACCTACACTTACTGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2822 Novel Gene

CATTCGATAAAAAATTAGAAATTCGTTTCACAAATTTGTTGGATAACTTTAAGCATTTGTTGTTGTTTCGTCGG  
AAGAAATTTGGGTTTGTCCGCTGAACCTCGCTGTGATCACCATGGCCAAAGCTGCTTCTTCTTTATTGCAAAC  
CCTAAGGCGCTACATTAAGAAACCTTGGGAGATCACTGGGCCGTGTGCAGATCCAGAGTACAGATCAGCGGT  
TCCGAGCGCCTTGAGTACAGGGTCGTTTGCCCCGCCACCATTAAGGAGAAAGCTATTATCCCTACATCCAAT  
CCCGAAACCGTATTTGACATTAAGTATTATACTCGCGACCAGCGTCGCAATCGCCCTCCAATTCGACGCACCAT  
CCTCAAGAAACCCGACGTCGAGAAGATGATGAAGGAGACCAAATTCGACCCTGCTGATTTCCCTAAAGTTTAT  
CTCACTGCCGCGATTGAGGAGGATATGAATGCCCGTGGAGGTGGTTATCAGAAGTAGAAAGGTTCTTTGCGC  
CCTGGGCGATGTTCTTTCAGCTTGATTCTTCAACTCTGCTTCTTTCAATGTTAACCTGAGATTGGGTTATTT  
AGGTATAGAAGTTTGTATGCCTAGCCTATACATTAATAACAAGACATGGGATTTGGCATCAATAAAGTACATCTC

CTTCTGAACTCTTCAATTTTTGTTCTTTTGTAAATGTTATGTGCTTGATTACAACCATTTGCAACAGTACTCTT  
GCTTTTCCATTGCTCCTGAATTTACGACATTTTGCTTGCATATCGTTATTGCTATCCTCAGCTTTGTGTTATCTG  
TCTTTGACTTTTACAGCTGGGATCTTAATGCCATTGACATATGAATAAAGAAGTGAATGTACCTTGCTACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2823 L15303|Brassica napus chloroplast fructose-1,6-bisphosphatase (FBP) mRNA,  
complete cds

AAGCCACAACCACAAACACACAAACAGACCCAGAAGAGAGAGAGAGTGAAGAGAGATAGAGAGAGAATGG  
TTCGTACGATTTTCATCTTCGCCTCAACAACTCTCTTCTCCACCTCTCTTTCTCCAGCTCCCGCGGTTCCCTTCT  
TCCAATTTCTCCATCCCCCGCCCTTACAGATTCTCCGGCACCCCGGACCCGATCCGGATTGATGTGAAAAACCTAAC  
CACGTGGCTACTGAAGCAAGAACAATCGGGACAAATCGACGCGGAACTAACCATCGTCCTCTCCAGTATCTCT  
CTGGCCTGCAAAACAGATTGCTTCGTTGCTGCAGAGATCCAGCATTATCAACCTCACCGGCGCCCATGGTACCAT  
TAATGTTCAAGGTGAAGATCAGAAGAACTCGACGTCATTTCAAATGAGTTGTTTTGCAGCTGCCTGAGATCG  
AGTGGAAGAACAGGGATCATTGCTTCAGAGGAAGAAGATGTGCCAGTAGCAGTGGAAGAAACATACTCTGG  
AAACTATGTGGTTGTGTTGATCCCATGATGGCTCTGCTAATATCGACACTACATTGACCACTGGTTCCATTTT  
TGGGATTTATGCACCTGATAAGCAATGTCTCTTGACATTGATGATGACTCTGTGCTTAATCAGGAAGAACAAA  
AATGCATCATGAATGTATGTCAACCAGGAAACAACCTATTAGCAGCTGGCTACTGTCTCTATTCAAGCTCAGTT  
GTCTTCAAATCTCTATTGGAAGGAGTTTTGCCTTCACTTTGGACCCTACCTATGGAGAATTTGTGTAATC  
ATCCCATCAAAATCCCACCTTGGGT

>trans\_c\_2824 NM\_001051134|Oryza sativa Japonica Group Os01g0813400 (Os01g0813400)  
mRNA, complete cds

ATATCTTCATTCAATTCATCCCTTCTTCTCTTATCGCTTCTGTTCTTAGACAAATTGAAAATAGCCTCCTAAGG  
GAAAGGAGAAATGGGATTGACCTTCACCAAGCTCTTCAGTAGGCTTTTTGCCAAGAAGGAGATGCGGATTTT  
GATGGTTGGTCTTGATGCTGCTGGAAAGACCACGATCTTGTAAGCTCAAGCTCGGAGAAATTGTCACAACT  
ATTCTACAATTGGATTTAATGTGGAGACTGTGGAATATAAGAACATCAGCTTCACCGTATGGGATGTTGGTG  
GTCAGGACAAAATTCGTCCACTGTGGAGGCATTACTTCCAAAACACACAGGGTCTTATATTTGTTGTGGATAG  
CAATGACAGAGATCGTGTTGTTGAAGCAAGAGATGAATTGCACAGAATGTTGAACGAGGATGAACTGAGAG  
ATGCTGTGTTGCTCGTATTTGCCAACAAGCAAGACCTTCAAATGCGATGAATGCTGCTGAAATTACCGACAA  
GCTTGGTCTCCATTCACTCCGTCAACGCCACTGGTACATTCAGAGCACCTGTGCAACATCTGGAGAGGGTTTAT  
ATGAGGGTTTAGACTGGCTTTCCAATAATATTGCTAGCAAGGCATGAGGCAGTTGAGGTTTTTGGCTGTGCGA  
CTCTGGACCGTGGGTGAAGTTTGGTGATGATAGGGGTATAGTTTCGTTTTTTCTAAAGAAGTGTGTTAGCAGC  
AGAACAGTTTGCCAGACTTCTATATGTACTCTCTGTTTGTATACTTGCGGCTTGATCTAAAATTATCTAACCTTG  
TTATAGTTTCTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2825 BT015741|Arabidopsis thaliana At4g11120 mRNA, complete cds

TTGAAGAAAATCACTTGAAACAATCAGAAAACCTGGAAAACCTTGGTTTGTATCATCGTTTCATTGTATGTTGAA  
TTAACCACTCACCCACCATCTTCATTCATCTTCTCGTCCGGTGAAACGGTCAGAGAAACCGTTGAATGCTAGC  
ATGGCGTTTTGTAGAGCTACAAAACGTTCCATTGGATCTTTGATTTCTAACGGGCTGCTGAATAACGCTACTAG  
GCATGGGTTTTCCAGTTGTGCTACCAATAAGACATTTGTTGTTGAAGGTGTTCAATATGGAAGTTCAGTTCCTT  
ACGTTACAGATGCTAATTCTGCTATTTATTCGAGGCTTAGTCTGTTGAGAAGATTTAGTGTGAAACCCCTCT  
GGGTCAGACCAGATGAGTCTCATAAAGCAGCTGAGAAAAAGAACTAGTGCACCCATTAAAGATGTCAAGGCT



GCTCTCATTGATTGCAATTGGGATATTGAAGCAGCACAGACAGAATTGCGAAAAAGAGGAAAGGTGTTAGCC  
CTGAAAAAGTCTGCTAGAACTGCTGCTGAAGGCCTCCTTGCATTGGCCAAAATGAAACCAAAGCTGTTGTTA  
TTGAACCTAACTGTGAGACTGACTTTGTTGCTAGGAATGAGATTTTCAATATTTGGCTCTATCTTTAGCAAAG  
CAAGCATTGTTGTCGAGAGTTTGTCCCATACGATCCTGGGACTTTCCCTGTTGGACCAGAGCAATTGGAGG  
GAATTAATTAATCTAGAACACCCAAAAATTAATGGAGAAACAACAGCTCCTAATGCAGTTACTGAAGTGGC  
TGCCATAATGGGGGGAGAATATTAAGCTAAGACGAGGTTTTTGTATGTCTGCTTCTCCAAGTGGTGTTATTTCT  
ACATACCTCCACACGAGTCCTCAACCAG

>trans\_c\_2826 GQ913690|Phaseolus vulgaris nuclear factor Y subunit C mRNA, complete cds

AAACTTTTTTCATTTCAAACCCCACTAACAACCAAATTAGCTAAATTATGACATGGGTCATCTTCCATTCTTCC  
CCATAGATCTCTTTCTCATCGATTTTCCCTTTTCCCTTTCAGGGTATCTAAGATCTTGTTTACTTGAGTATCATT  
GTGTCTTTAAAGGCTGTCCGAGATTTATTTCAAAGTTCAACCGTGATGGATCAGCAAGGGCATGGCCAGCCA  
TCCATGGGAGCGGTTGGCAGTGGAGGTCAGATAGCATATGGTAGCAACCTGTACCATCCCAACCAAATGCCT  
GTAGGCCCAACTTCGGGATCTGTCGTTACATCAGTCGGAGGCATTCACTCTACGAGTCAACCTGGTGGAGCAC  
AGCTTGCTCAACATCAACTTGCTTATCAACATATCCACCAGCAGCAGCAACAACAGCTTCAACAACAGCTCCAG  
ACTTTTTGGGTAAATCAATACCAAGAGATTGAGAAGGTAACAGACTTCAAGAACCATAGTCTTCCCTTAGCAA  
GGATCAAGAAGATCATGAAGGCAGACGAGGATGTACGAATGATATCAGCTGAGGCACCTGTTTTATTTGCTA  
GGGCATGTGAAATGTTTCATCCTGGAATTGACTTTACGGTCTTGGAATCATACCGAAGAGAACAAGCGCAGGA  
CACTTCAAAGAATGATATTGCTGCAACTATCACAAGAACTGACATTTTCGACTTTCTGGTTGATATAGTGCCG  
AGGGAAGATCTGAAAGATGAAGTACTCACATCGATTCCAAGAGGATCAATGACAGTTGGGGGACCTGGAGA  
TACACTTCCTTACTATATGCCGTCTCAGCATGCACCTCAGGTTGGGGCACCTGGAATGATCATGGGTAAACCA  
GTTATGGACCCAGCTATGTATGCTCCACA

>trans\_c\_2827 NM\_100217|Arabidopsis thaliana BSD domain-containing protein (AT1G03350)  
mRNA, complete cds

AATTTTTCACAAATAAATACTGAAGTTGAGAAATGAGAATGAGATTTAGAACTTTATCGATAATGGCGTGGCC  
TTCCGTTCTTCTGACAGAGACTTCTCACCTCTTGACCAAGAACAACACCAACGACACTCTTCTTCAATTCCAA  
ACTAAACCCCCCTTCAAATCTCAATCCCTTCTTCTTCCATAATCGCAATTAATTTCTCAATTTCTGTCGTTGTTTT  
TCCAAAATCCCTCCAATGAATTTCTTTCAGATCGGTGTTTTCCGACGATCCCGATCCTTCCACCGCGTCCAAAAC  
GAACCTCAATCGCTAAGAAATCCTCCTTCGACGAAGGAGAAGAATCATCGGATCCAGCCCTCGTTCCAATC  
CAACCCCTGTTGAAGATGCCGGAGCTTGGAGTTTCGGTGGGTTGATCAAGACTTTGAGTGCTAAATCGGAGTC  
GGTTATCGAGACTTACCGACGCGATCTCCAGGAATTTGGTTCGGGTTTGAAGAAGGAAATTGAAGTCGCTCAT  
GGATCGCTGGAGACGGTAGGGCATGCTTTTGATGAATTCGGTAGCGCCGTTTTGAAAGGTACGGCTCAAATT  
ATCGCTCAAGGTAAAAATGCGATCCAAGCTATAGATCAAGAATCTGATTCTGATAGTAGTAATCAAAATT  
TGAGTAATCAAAGAAGCTCAAGTTCCAAGCCTTATAGTAGGTTTGATGCTCAGGTTTCGTTTCGTTCAAGGCGA  
TACGGCCACTTACTGTGATGAACCTGAAGATTTGGGTGATTATGAGAAGTGGAATTAACAATTGTTCTGAAA  
GAAAAGAGTGAAGAAATTGAAAACCTGATTGAAGAAATGGAGCTATTGATATATACACAAGAAGGTTGTTC  
CCCTATGTGTTGATAATGAACTTTC

>trans\_c\_2828 NM\_001059563|Oryza sativa Japonica Group Os04g0465800 (Os04g0465800)  
mRNA, complete cds

AATATTTACCGTAAAGAATCTCATCGACTGGCTTACTATCCCTCTCGGCTCGGTTCGAGCATCCAGATCGAACT  
TGGGTTGCGACGGTGATCGTTGAGACGGAACCATGCCGGGACCTGGGCCTCACATGCTCTACGCCATGGGCT  
CCGGCATGGCTCTGACCACTCTACCGACGGCCGATTTAGTCCCCACCATACTCTCTTTTACTCCATCAACGCTT

TCTTCGGTCCCGACATCGGCTCCTTCTCCGATTGGCTGTCTCCGTTCTCGGTTTCCCAGCATCTTCCCTTCCCGA  
CGCTATCCATCATCCCGTCTTCTACATCCTCATTCTGGGTCTTCTCTCTGCCTCTTCTACTCCTGGCTCTCCTCTT  
TTCTACTCCGTAAGGGCTCCTCGATTCCGTCTGTGGGAAAACGGGCATTTCGTCCACGTACACTTGGATTTTG  
AGCACTGGTTGGTGGGAGAACCAGACCAATCAATCCAGATGCTGTTTTTGTGTTGGATTCTTGTGCGCTT  
GCTTAATTGGTGGTTTTGTTTACATTAACAGAGTGAAGTCTGGAAAGTCGATTTTCGAAACAATGGTTTCAGTCC  
GTAAAGCTTATGGTAGTAGTAGCTACCCTATATTCCATGTGGTGCGCAAGCCAGATATACTGGGCTAGCCCTC  
GTCGACCAGCTGTCCGGTGAAGAAGCTGATTTTGGAGTTCTAGTGTCTGGTTTTCTATTTTTTCTACCTCATT  
ATCTTTGTATAAAGTCCATGCAACCAAAAGATTCTGAAACCAACATCTCCATTGTGATAGATGAGTTATTCA  
TTTATATTACAAAACGTTCAATAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2829 XM\_002298320|Populus trichocarpa glycoside hydrolase, mRNA

TCGCTACCTCCGACAAGAATCTTATAGCGCATTGCTTCCTGCTATGAAGGCTATTCATTCCGGCTCTCATGCTCG  
CGAATATATCTGATGTTAAGGTCTCGACCCCTCATTGTTGGGCATTTTGTCCGCCTCGGAGCCGCCGAGTGCC  
GGGCGGTTCCGGCGTGGGTACGACCGGGCCATTTTCGCTCCAATCCTCGATTTTCATAATCAAACAAAGACGC  
CGTTCATGGTAAACCCATACCCGTTTTTGGTTTTAGACCGGCGACGTTGGACTACGCATTGTTCAAGCCCAAC  
GCCGGAGTTTTCGACAACGCAACCGGTAAGCATTACACGAACATGTTTCGACGCGCAGTTAGACGCGGTTCACT  
CAGCGATGAAGAAGGTCCGGCTTCGGAGATGTTGACATCGTGGTAGCAGAGACCGGATGGCCCTCCGCCGGC  
GACCCAAATCAACCGGGCGTAAGCATGGAGAACGCCATTTCTACAACCGGAACCTCGTGAAGCATGCAAAC  
TCCGGAAGGGAACGCCATTGATGCCGAACAGAACCTTCGAAACTTACATCTTTTCTATTCAACGAGAATCT  
CAAACCAACCACTTCCGAGAGAACTACGGCCTCTTCCAACCCGATTTCACTCCGGTTTACGACGTGGGCATCC  
TCCGAAATCCACCGACTATGGGGCCACATCGCCAGTGGGAGAACCAAAGCCGTCGGATGAGGGGAGGAGA  
ATGGTGCGTGCCGAAAACGGACGCATCAGATGAAGCGTTGCAGAAGAATATTGATTACGTGTGTAGTAGTG  
AGTTGACTGTGGGGCCATACAAGAAGGTGGGGCATGCTACGATCCCAATACAGTGCATCACATGCATCGTA  
CGCTATGAACGCTTATTTTCAAACCGCTGGTCG

>trans\_c\_2830 Novel Gene

GCCCTTGGTGGGTATACCCTCCGTCTTCTCATCATATCGCATCTCCGTATTCTCTCATTACGAAACTCCGCTTA  
GCTCGCGGCGGCACACTAAGAAGCTAGCCTTACGACGAAGAATCAACCAGCAATCACTCCGTCTCTTTTTTCA  
ATTTCTTTTTCGTTTCTTTGATTTTGGATTTCTTAATCTGACATTCTAAGGGCATAAGACTTTAACTAATGGCAT  
CCAAGTTGGCTCAGTTACAATCCAAGGCCACTCAAGCATCACAATTTGTGTTAAAAAATGGGTGTTCTTACTAC  
AAGCAATTATTGGAACAAAACAAGCAATATATTCAGGAGCCACCTACAGTGGAGAAATGCAACGAGCTCTCTA  
AGCAATTGCTTTACTCTGCCTTGCAAGTATTCCAGGTCGATATGAATCATTCCACAAGGAACCTTGATTACGTA  
AAACAATTATGGAAGAACAGACAAGATCTGAAGGTGGAAGATGCAGGCATTGCTGCTCTATTTGGTCTGGAG  
TGTTTTGCATGGTTTTGTGCTGGTGAAATTGTGGGAAGGGGTTTTACTTTCACTGGATACTATGTCTGAGGTTT  
TTCGCTTTGGGAAAACACGGCTCTAGTGTTTATTCTTAAGCTCGGTTTCCAGCACCGTTGCTGCTGTCGTTTGT  
ACCACTCGAATGACTTGAATTCTGCATGAAATTTTGTGTTTTCTGCAAATTTTTTTAGAAAGCTTAGTATTTGG  
TGAGGAAATCAGTTGATTACTTATTAATAATCCATGTTCCAAAATAACTTGGATGGATAATGATGCTGTTGCTT  
TATTTAATCTCCCGAAAGTTTCTAGAATCATTATATAACATTTCAATTGATTTTCATGTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2831 XM\_002872559|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal-responsive protein (ATSR),  
mRNA

TTTCTTGCTGTTAGAAATGAATGCGGAGAGTCAAATAAGAAGAAAGAGTATGCTGCTGATATTTCTCCATAA  
AGGAAGCCCCGATACGTATTTCGACCTTTCATCCATGAAACCCCAGTTTTTTCATCTGAACTATCAATGCTGCTT  
CAGGAAAACGACTTTTCTTCAAATGTGAATGTTTCCAGAAGGGTGGAGCTTTTAAATCAGAGGAGCCTGCAA  
TGCTATATATTCACTTGATGAGGGCGAGGCTGCTAAAGGGGTTGTGACACATAGCAGTGGTAACCATGCTGC  
AGCTTTGTCTTTGGCTGCAAACTGCGAGGAATCCCTGCATATATAGTTATACCAGAAAATGCTCCAAAATGTA  
AAGTTGAAAATGTGATACGTTATGGTGGTCAGATTATTTGGAGCAAAGCCACAATACAGTCAAGGGAATCGG  
TTGCTGCGAGGGTTATGCAAGAACTGGTGCACCTTCTCATACCCCATATAATGATGGGCGCATAATAAGTGG  
GCAAGGTACCATCTCGTTGGAGCTTCAGGAACAAGTCCCACAATTAGACACTTTAATCGTTCCCATAAGTGGT  
GGTGGTTTGATATCAGGAATTTCACTGGCGGCAAAAGCCATCAATCCTGCCATCCGGATTTTTGCTGCAGAAC  
CTAAGGGAGCTAATGATGTAGCCATGTCAAAAGCAGCTGGTAAGATAGTAACACTGCCAGATACCACCACCAT  
AGCCGATGGTCTTCGAGCTTTTCTCGGCGACCTGACCTGGCCAATAGTAAGAGATTTGGTGGATGATGTAATA  
ACTGTGGAGGACACTGAGATAATTGAAGCAATGAGACTTTGTCTTGAAATTCTGAAAGTTGTTGTGGAACCAA  
GTGGGGCAATAGGTCTTGAGTAGGTTTCAGAG

>trans\_c\_2832 M64736|Ricinus communis ATP:pyruvate phosphotransferase (PK-p-alpha) mRNA,  
complete cds

AAGTACAAAAGGTTTAAGCCGTTTTGGGCCGTCGATCTTCCGGCGACAATTCCGAAGCTGTTCTCTCCTTCGGC  
ATCTCCGTCTCTCTCCCTGCATTAATCACCGATCCCCGTTTCCGAAATTCCTCCATTCCCTTTCTCCAAATTCCTCC  
ATTTCCCTTTACAATGACACAATCTCTCAAATTTCACTTCTCCTCCGCAATTTCTCTCCCCAAACACTCCATCTCTA  
AACCTTCTCTTCCACTGCCGCTTTCGCTTTCCTTTCTCCTTCTCCAAATCCTCAATTAGAGCTTCTTCTTCGGAT  
CTCAATCCTCTCTCATCTTCTTCCACTTCCCAAGTCTTGGTTTCTGAAAATGGCTCCAGTTCGGGTGGTGGGGTT  
GTGTCCTCTTCTGCTACTAGGGAGTTTGTGTCTGCTGCCTCTGATTCCACCTCGATTGATGTTGATGCTGTCACT  
GAGGCTGAGTTGAAGGAGAATGGGTTCAGGAGTACCAGGAGGACTAAGCTCGTGTGCACCATTTGGCCCTGCT  
AGTTGTGGATTGCAACAGCTCGAGGCACTCGCTGTTGGTGGTATGAATGTCGCTAGGATCAATATGTGCCATG  
GGACTCGAGACTGGCATCGGACCGTTATTGAACGTGTGCGGAGGCTCAATGATGAGAAGGGTTATGCTGTTG  
CTATCATGATGGATACCGAAGGGAGTGAAATTCACATGGGTGATCTTGGTGGAGCTTCTCGGCTAAAGCGG  
AAGATGGTGAAATTTGGACATTCAGTGTGAGAGCTTTTGATTCAACCCTCCAGAACGCACCATTAATGTGAA  
CTATGAAGGGTTTGCAGAAGATGTGAGAGTGGGTGATGACCTTCTTGTGATGGTGGAATGGTGAGGTTTGA  
GGTAATCGAAAAAATTGGT

>trans\_c\_2833 BT012098|Arabidopsis thaliana At3g22680 mRNA sequence

ATCCATTGCGCTCTTTGTTTATGTAGAAAATCCACTCAGTTTACAATGTTCACTGTTTCTTCTTGTCAAATAATCA  
AAACCCATCTTCTTCTTCTTCTTATCGTCCTTCTGTTGAATCACATAATTTACAAAATGAAGAGGCCAATGCCC  
TGGAATGAACAAGTAGATGTTATATCATCAGGTGAATCTTCTTCTCTGATTGAGAAGCAGCAGTACAAAATG  
ATGGATATGAGTTCAAGCCTTCCCTAGACGATTTCAAATCCCTGCCAAAGAAATGACATCTGAAGGTATGTT  
GATGAAAAGGGCGGAAATGTATCAAGAATACATGAAACAGATCCAAATCCCAGCACAACGTGGTTCTGTGAT  
ACCATTTACAACCTGGATGGGTTTAGGCAAATCTATAAGCAACTTTATGGCCAACCTTTGCATTACATGACTA  
ACATTCTACTCAAACAATGGGATCAATTACGGTTAGGAAGTGCAGATGAATATAAGCCATTGGATACTGTAAT  
TCATCCGAGTAAAGCTGAAGCAACTGTATGGCTGGTTGAAGAGATTCATAGGCGCACCTCATCACATCATCAT  
GTTGCTAAACTCTGGTTATCAGACCCGATGCACGAAGCGTACGTTGACTCCATTTTCCCCAACTATGAAGGCT  
GCTTTCAGTTTGTCTGTCTGTGTTGATATTATAACATTTTCTAGAAGGCTAACATGTGAGTGACAATGTGAA  
TTGTAATAGAAACAGCATACTTCTTTCGTCACACTGCACTTCACTATGAAGAAGCTCGAGCATTGCTTCTTCTGT  
CCATTGTTGCCATCTGTCTGGTCACTAGTTGACTGCATTTACTTTTGTAGCAAAGAAACAATGTAAATCAATATT  
TGGAGATGCATATTTATCTT

>trans\_c\_2834 NM\_115553|Arabidopsis thaliana CRD1 (COPPER RESPONSE DEFECT 1); DNA binding / magnesium-protoporphyrin IX monomethyl ester (oxidative) cyclase (CRD1) mRNA, complete cds

CTCGAATTCGGAATCCCTAGAACAAAGAGCAATTCCATTCTCTTACTCCAAATTCACCGCCATTAAAATGTCTGC  
AACTTCCTCTCAATCGCCTCCCAAGCCTTCTAAGAACGCCAACAAAGGCTGCGATTAGGGAGACGCTTCTCACTC  
CTAGGTTCTACACCACTGATTTTGATGAGATGGAGACGCTTTTCAATACTGAAATCAACAAGAATTTGAACCAA  
GCTGAGTTTGAGGCTTTGCTCCAGGAGTTCAATTCTGATTATAATCAGACTCATTTTGTGAGGAATAAGGAGTT  
TAAGGAAGCTGCTGATAAAATGCAAGGAGCTCTTAGAGATATTTTGTGAGTTTCTTGAGAGGTCTTGTACT  
GCTGAGTTCTCTGGGTTTCTTCTCTATAAAGAGCTGGGAAGGAGGCTTAAGAAAACCAATCCAGTGGTGGCTG  
AGATTTTCTCTGATGTCCAGGGATGAAGCCAGGCATGCTGGGTTTTTGAACAAGGCCTATCAGATTTCAA  
CTTGGCATTGGACTTGGGATTCCTGACAAAGGCTAGAAAATACACATTTTCAAGCCAAAGTTCATCTTCTATG  
CTACATACTTATCTGAAAAAATTGGATACTGGCGATACATAACCATTACAGACATCTCAAAGCCAAACCCTGAG  
TTCCAATGCTATCCCATTTTCAAGTACTTTGAAAATTGGTGTGAGGATGAGAACAGGCACGGTGATTTCTTCTC  
TGCATTGCTCAAGGCACAGCCTCAGTTCCTCAATGACTGGAAGGCTAAGTTGTGGTCTCGATTCTTCTGCTTAT  
CGGTGTATGTGACAATGTATCTCAATGACTGCCAAAGAACAGCATTCTATGAAGGAATTGGGACTAACACTAA  
AGAATTTGACATGCATGTAATCAT

>trans\_c\_2835 BT003118|Arabidopsis thaliana At3g59650 mRNA, complete cds

GCCTTCTTTCATATAACCAACCCCCGCCCTGCACGCATTTCTGCCCGCCGCGTTTCAGCCTGCCGGCGAAAT  
CGCCGCCACCCCTTATCGCACTCTCTCGCCACTTTGAGGAATCAAAGCTACTTATCGCTATTTATTTTTCTCCTC  
AGGAACACAGTGGTCTAGCCCCTTACCCTCGCGTTGAATATGGCTTTGCGAGGTGTTGGCAGCTTAAGAAG  
TTGGTTGTGAGCTACTGTGATTGGGGAGGAAGCAGCAGGGGCATCAGGGCATTTATGGAGTCGCAGATGCCA  
GCTTTTAAGGAGAAAAATCCTCAGCTAGAAGTAGTTACTGAGCTCAATCGTGGCCAGCATCCATACTTGAAGG  
GCTTCTACAAAAGCAATAACAACCGGGTAGTATGTGTGAAGAACATGGATCCAGAAGAAATTCATTCATGTGC  
AACGAGGCTAAGGAATTCAGTGGGACGAAAGGTCGTAAACTGAGAACAAGACATGTAATAAAATCCCAG  
TGTGCAAGGTACCTGGAACACAGATGTAAGATTTTGAGGGCTGGATGGATAATTTAATTATTCCTGAAGAGCT  
TGATATCATTTAGAGAATGTTCTTTCCATCAATAATAAGATGTTGAAACCAAACCTATTTATAGAATTGCTTGAG  
TTTTGTGGTTTGTAGTGAGTCCTTATGTAACTTTGAGGTAGTTATTATTTCCCGGTTCTCTGAATACTTTCTG  
GAAAGTTTCGAAAAAACATGAGTTCGTCTTGAAGAATGTCTGAAACGGAATGGGGTTCTAATTTGAGTTG  
GTAACCTCTAATTCTAAACACTCAAAGCTGCCAACAGAATTGAATGATTCATCANGCGATCCAAGATTACAG  
TTTTGTAGTTCTTGATTGAACTT

>trans\_c\_2836 EF584898|Glycine max OAS-TL3 cysteine synthase (OAS-TL3) mRNA, complete cds

CAAGCTTGGAGAGGAGAGTTACAATGAGAGCATTTGGAGCTGAGTTGATTTAACGGATCCAATAAAGGCA  
TGGGAGGTACTGTCAAAAAGGCTTATGATCTTTTGAATCCACACCTAATGGTTTCGTGCTCCAACAATTCTCA  
AACCTGCCAATACTCAGGTGCATTTAGGGATTAACTTTTTGAGATTTGGGAGGATACAAATGGACTAGTTG  
ATATTTTGTGATGGGAATAGGCAGTGGAGGGACTGTCTCTGGAGTAGGACAGTATTTGAAATCCCGAAATCC  
CAATGTTAAGATTTATGGAGTGGAGCCAGCTGAAAGTAATATACTGAATGGTGGTAAACCAGGTCCTCATCAT  
ATTACTGGCAATGGGGTTGGATTCAAGCCAGACATATTGGATATGGATGTTATGGATAAAGTTCTTGAAGTAA  
GCAGTGAAGATGCTGTAAACATGGCTAGGGAAGTACAGTAAAGGAAGGACTAATGGTGGGAATATCATCC  
GGAGCCAATACCGTCGCTGCGCTCAGACTTGCAGAAATTACCCGAAAACAAAGGCAAACCTATTGTGACCGTTC  
ATCCAAGTTTTGGGGAGAGATATTTGTCATCTGTTCTGTTCCAAGAACTGAGGAAAGAAGCTGAGAACATGCA  
ACAGTCTCAGTTGATTGAGTCAATTATGGTAGTTGACTTTGATGTTCCATATGATGGGGAAATTACAAATTC  
ATCCAAGCTTATGTTAGATGAAAGTTTGTGGTTCATCTTGATTTGCTTGAATAATTTCCCTAGAAAGTGCATT

ACTGCCCTCTTCTCTTCTCCTCTCTTCTTCCCGATCTCAATTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCCTCCCTTTT  
TCTCTCTCCGCCGTTCCCGGCCGCCGGAGCTACTTCTTCACTCTCCGCACACACCATTTCTCAGCCCCCTTTTCCCT  
TCAATTCATCTCATTCTCGATTGATCCTCATCACCTTTTTTCTCGATCGCTCTTCAATCCCCTCTCCTTTCCC  
GGCGCCTCTTTCCTTTTCTTCTACCCTTTCCCGCCAGTTATAATGTTACATTGTTCCAAGGAAGAGTGATACATG  
GAATCTGAAGATAAGAAATTTGGCCGAGGACCTAGGGAACAACTGGTGCTGTGGATCTTATAAGTCACTAC  
AAGTTGTTGCCTCACCATGATTTTTTCTGCAAGAAGTCACTTCCATTGTCAATTCAGACACACATTATCTTCAT  
AACGTGGTTGGAGACACAGAAATTAGAAAAGGAGAAGGGATGCAGTTGAATCAACTCATA CAGAATACTTCT

TACCCTAGAGAGACTAATGCCCGTATACAGCCATTTGATCAAGATATTCTCATAGAAGCCTTCCAACCTGAGGG  
AAACTGGTCCTGTTGATCTGCCTTCTGCCGAGAAGGGTGTTCTACTATTCCAGGGAAGTCAAAAAGCGAGTC  
CAAAGATAAAGACAGAAAGCACAAGAAGCACAAGATAGGGATAAAGAGAAGGATAGAGAGCATAAGAAG  
CACAAGCATCGACATAAAGACAGGAGTAAGGATAAAGACAAGGACAAGAAGAAGACAAAAGTGCCCATCAA  
GATTCTGGTGCTGATCATTCTAAGAAGCATCATGAAAAGAAAAGGACCACGATGGGGGAAGATGATATAAAT  
GACATTCATAGGCACAAAAAA

>trans\_c\_2840 Z73955|*L.japonicus* mRNA for small GTP-binding protein, RAB11G

AAAGAGGATGATGAAAGGAGAGCATTAGCACTACATGCGCAGCTTGTCTCTCTGCCAGCTTTGCTTCTTCAAT  
CTTCATCCATTCTCCATTCTCCATTATTGCTTCCATTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCTCTACCCA  
ACTTTCTTTCCCATCTTCCATTTCACATTCTTTCATTCTCAATTTGAATTTTTCGCCAATGTCATCCTCCGACGA  
CGAAGGCGGTGAGGAGTATCTTCAAGATCGTTATCATCGGAGACTCTGCCGTCGGTAAGTCCAATTTACTC  
TCTCGTTATGCTAGAAACGAGTTCATCTCCACTCCAAAGCCACCATCGGCGTCGAATTTCAAACCTCAGGTTAT  
GGATATTGACGGCAAAGAGGTTAAGGCTCAGATTTGGGATACTGCCGGCCAGGAAAGGTTCCGTGCTGTTAC  
CTCTGCCTATTACCGTGGTGCTGTTGGTGCTCTTATCGTTTACGATATCAGCCGTCGCTCCACTTTGATAGTGT  
CGGCCGATGGCTCGACGAGCTCAAGACTCATTCCGATACAACTGTAGCAATGATGCTAGTCGGGAACAAATG  
CGATTTGGAGAACATTAGGGATGTAAGTGTGAGGAAGGCACGAGTCTTGAGAAGCCGAAGGGTTGTTCTT  
CATGGAGACATCTGCTCTAGACTCAACAAATGTTAAAAGGGCTTTGAAATTGTGATCCGAGAAATATACAAC  
AATGTGAGCAGGAAGGTCCTGAATTCAGATACGTACAAAGCAGAATTATCCGTGAACCGGGTGAGCCTCGTC  
AACAACGGTGGATCGAAACAATCAGAAGGATACTTATCTTGCTGTTCCAGGTGAATATCTTTCATCTTTCATCT  
TTCATCTCTTAACTTCACAAA

>trans\_c\_2841 BT029348|*Arabidopsis thaliana* At2g28660 mRNA, complete cds

AAAAGCAAAATCCATCCTCTCATTTGCAATCCACAACATGAAAAAAGTAGACCTTTTTTGCAAATCTAGAGCTT  
CCACGGCGGTTTCGTTCAAGTTTCGGCCGACGTCCGGTCACCGGAGATGCTCATTCCGGCGATCGGAGAAAAG  
GGCAGCTTCATTTTGAGAATCATAGAAAGAGTACGAGCTGTTCCAGCACTGTGAATCGAAAGGAACCTAATGA  
TTTACGAAGAAAAAGCTGTGCTGATGCTGATGATTTGAAGAGCCCTGTTCCGGTTCCTCTGCTCGCTATCTTT  
TGGGTGATGCGCCGTTCTTGATTGGTTTCCAGCGGCCTCCGGCGATGAGCCTCCGGCACCGGTGCCGGAGA  
AAAGGAAGATAATAAGCCACAATTCACAGAAATCTGTTTCGTTGAATCGTTCTTTGACTGTTTCATGAATATCGC  
GGCTCAAGTCTCCTTCTGTTCTTGAGTCCCCTGTTTTGAAACATCTTCTTAACTCAATCTCGTGATCAG  
GTGGTGGTTTTGAAGGTCTCATTGAACTGTAGAGGCTGTGAAAAGAAGGTGAAAAAGCATATCTCAAAGATG  
GAAGGAGTGACCTCATATAGTGTGGATTTCAACAACAAAAAAGTGACCATAATTGGGGATTTAACCCCTTTTG  
ATGTGTTGGCCAGTGTTCAAAAGTGAAGTATGCTCAATTTTGCCATCACCAAATCTTCTTCATCTTCTACTC  
CACAATCTTCATCATCATCAACAACATTTTGATTAATGAAAAGGCAAACCAATATTTTGCTACAAAAATCC  
CCATTTGGGATTTGCTGGTATTAAGCAAAAAAGTTGGACAATTCATGTGCTTTTTTTTTCTCTTCTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTTGTGTAAATCTT

>trans\_c\_2842 Z31581|*P.sativum* (miranda) mRNA for chloroplast outer envelope protein 86

CTGGCGAGGCCGGTCTTGACACCCATGGTTGGGACCATGACTGTGGATATGATGGTGTGAATCTTGAACAC  
AGTATGGCCATTATTAATCGGTTTCCTGCTGCTGTTGCCGTTCAAATTACAAAGGACAAAAAGAATTCAATAT  
CCACTTGGATTCTCAGTTTCTGTCAAGCATGGAGAAAATGGTTCTACTATGGCAGGTTTTGACATTCAAAATA  
TTGGTAGGCAGCTTGCTACATCCTTAGAGGAGAGACGAAATTCAAAAATTTAGAAAGAACAAGACAGCTG  
CTGGGGTATCAGTGACATTCTGGGAGAGAATGTGTGCCAGGACTTAACTCGAGGATCAGATTACACTAG  
GGAAGCGAGTTGTAGTGGTTGGTAGCACTGGCACTGTTGATCTCAGAATGATACTGCATTTGGTGCCAATCT

>trans\_c\_2843 XM\_002871590|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heavy-metal-associated domain-containing protein, mRNA

>trans\_c\_2844 NM\_127541|Arabidopsis thaliana SNF7.2 (SNF7.2) mRNA, complete cds

>trans\_c\_2845 GQ377441|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription factor 21 mRNA, complete cds

AAAGCTCTTCTTTCTTTCTTCTATCTATCTCTTTTTCTTCTCTTATTCTTCTCTCTCCCCTTTTATCCACTTCAGTT  
TCAAATTA AAAACACATATATTCAATTAATCAAAATTACCTCATCTGGCTATTTCCATGTTTGTTATCTCTGATTC  
TTTACCATTTGGGTCTTCCACTTCCACTTCCACTTCTCTTGCTTTTGCTTCTTCTTCTCCTAGATAGAAAGCTTCTGC

TTCTTGACAAACGTACAAATTCAAACAGAAATTTACTCTCTTGTCTTCTACCATGAACTAGCACAAATAGTAGA  
GTAGTTCAGTTTGTGTTAATTTTATGAACTGAGAGGAATTGAAAATGGAAAGTGGGTGGAGCTGGGATCAAA  
AGTCACTCATTGGTGAGCTAATTCAGGGGATGGAGCTTACCAAGCAATTGAGAACAGAGTTGAGTTCAGCAT  
CTGGAGAAGAAAGCAGAGGATCATTAGTACAAGGAATTTTATCTTCATATGAGAAAGCTCTTTTGATACTGAA  
ATGGAACGGACCAACGAATCAGCTTCAGATGGTTGAAGCGACCCCTGGTTTGCCAGGCTCTCCAATTTTCGGTT  
AATGGAAGTCCTTCTAGTGATGACTCTGGTAGAGTTCTCAAGGACCCTCAGGACTCCAGAAAAGAATCAAAGA  
AGAGAAAGACACAGCCCAGATGGACAGAACAAGTGAAGTGAAGTCTGAGACGGGATTCTGAAGGACCCAC  
GAGGATGGTTATAGCTGGAGAAAGTATGGCCAAAAGGACATACTCGGTGCAACATATCCAGAAAGCTACTAT  
CGATGCACTTTTCGCAATACTCAGAATTGTTGGGCAGTAAAGCAAGTGCAGAGATCAGATGAAGACCCTTCAG  
TATTTGAGATTACATACCGA

>trans\_c\_2846 GU985590|Helianthus annuus isolate Ann1238 sleepy 1 mRNA, complete cds

AATTCATCCTTATTAAACCTCACCCACTATGGTTTCTCTCAATTTTTCATTTCTTTTCACTAAAACCGGATTTTG  
CGATTTGTTTTGTGATGAAGCGAGTCGTTTCAGATGGGGTTGGGGATCGGAAGATGGGGAAGAAACCTAAG  
GCGGAAACCCAAGATTTTACCCGTGGAGGAGGAGGAGGAGGAGAAGACTGCTCCGACAAGACCGGATTTAT  
GAATTTGGATGATAATTTGTTGTTGAGGTTTTAAACATGTGGATGCTAGGACTTTGGCTATGGCGGCGTGT  
GTGAGCAAGCAATGGCATAAAACCGCCGAAGATGAGCGGCTTTGGGAGCTGATCTGCACCAGACACTGGGCT  
AACACCGGCTGCGGCAACCAACAACCTCCGATCTGTAGTTCTCGCCCTCGGTGGCTTCCGTGACTTCACTCCCT  
CTTCATCTGGCCTCTTACCAAGCCCCAATCCTCATCCTCCTCCTCCTCCTCCTCACCTTCTCCACATCTTCAT  
CCGCATCCTCTTCTCATCGGCATCTTGGTCTCCGTTTCCGGCAATGATTGGATCGAAACCGCCGGCCCCGGTG  
GGGAAAGATGAGGTCCATCTCTCACTTTCCCTTCTCTCAATTCGTTACTACGAGAAGATGAATTTAGCAACAG  
AGGCAGATGAGTGGCTTGGCTTCCATATTCAGTCCATTTAACCATTTTCTTTCAAATTTGGCAATTGAAATTC  
CCTTTCAATGTGTTTTGGATTTGATCTGGGGGTTGTTCTTTCTTTTTTTTTTTCTTTTCTTCTTTCTTTTG  
TTTAATTAGATCTGTATCTGATTTGGGTGTGTACTTTATAAAACAACATAAATTAAATCAGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2847 AY050468|Arabidopsis thaliana AT3g56130/F18O21\_90 mRNA, complete cds

ATTCTTATTACACGGAGAACTAATGAGAATGGGCGGAGATTTCAAGATTAAACATCTTCCAACGGTGACGAA  
TCACAAGCTCACACAACCGGGGACAATATAACTCCACTTTTTTCTCCCTCGATTTTGCCTCCATATCTCCGCA  
TAACTTCCAACCTCTACTTTGCTGCTCGTTTCTAGCTCCGCCTGATCCTCAGCTGTTTCCACTTCACTTCTCGC  
TTCTCCTCCATGGAGTCTCCGCATCGCTTCGATCCTTCACTATTTTGCAGGTGGTTCACGTCTGCAGTTAGTT  
GATAAACCAAGTAAAATTTACCTGGCTAGTACTAATAAGTCGAGCATTCAAAGACTATCAATTTTGGTAAGCC  
CATACATAGTCCAACAAGCCAGAAGAAGATAGTGGTATCATGCATAAAGACACCTGAAGTTTCGGAAGCTGCT  
AAGCCTAAGGATAGCGCCAGGGTTCAGTACAGAAGAAACCTGCATCAAATGCTACTTTTCCAATGGATTTG  
AAGCATTGGTGCTGGAGGTCTGTGATGAATCAGAGATTGCTGAACTAAACTAAAGGTTGGAGAGTTTGAAA  
TGCATTTGAAGCGGAATATTGGAGTAGTAAGAGCTCCTCTCTTCCATTTCTCCAACAGTACCTCCGCCAATTC  
CATCAAACCCATGGTTGAGTCGGCTCCTACTGCACCAGCACCTCCGAAACCTTCTCCAGAGAAAGCAGCTGC  
TTTTACCAATATTCCCTTACAGAAGTCGTCAAAGCTAGCAGCTTTGGAGTCATCTGGAGCAAAAGGATACGTCT  
TGGTACCTTCTCCTACGGTTGGATCATTCGAGTAGTGGCAGGACAATAAAAGGAAAGAAGCAACCTCCGATCTG  
CAAAGAGAATGACTTGATAA

>trans\_c\_2848 NM\_001074928|Oryza sativa Japonica Group Os11g0657300 (Os11g0657300)  
mRNA, complete cds



ACAGTTAAGAAATGAAGAGAAATTAGAATAAAGAAAAGAAACGAAAAAACCTAAACCTCTCTCCCTTTCCC  
TCCCTTGTGTCTTCAACCGTGCATTAGCCGCAGCCCTCTGATCGTTTCAGTGCAGTCGCCGACCAAGCCCTTCC  
CCATCGTTTTCTTCTTCTTCCCTGTTTCGACCGTCAACTACGTCGACCACGAGTCCGCCCTTGTAACATTTCC  
GGAACCATGAGCATCCCAGTTAACCCGAAGCCATTTTTGAACAATTTGACTGGAAAGACTGTGGTTGTTAAAC  
TCAAGTGGGGAATGGAGTACAAAGGATTTCTTGTCTCGGTGGACTCGTACATGAACTTGACAGCTTGCCAATAC  
TGAGGAATATATCGACGGGCAGTTTACTGGGAGTCTTGAGAGAAATATTGATCAGGTGTAACAATGTTCTTTAT  
CTTCGAGGAGTACCAGAGGATGAAGAGATAGAAGATGCCGAGCGTGACTAGCATGTAATCTTAGCAGCTTT  
TCGTTGTCGCAGTAACAGTGAAGTCGGGAACTTTCTTCTTGGTTGATTTCAAACCTGCAACAATGGTAGATTA  
AGTATTCTTGACTCTCAAAGTAACATCTATTTTTCCGGGTAGCTTGAATTGCTTTAGTTTTCTACAAAAGAAATA  
GTTGAGCTTTTAATAGTTTGTTTCATGCGGAATGCAAAGGGTTGGAATATATTTGTGACCTTGACTTCTTAGAT  
TGGCCAAGTTTCAAAATTTACGTGTACGTTTCATCTAATAGCATGAATAATGTATTATCTACTTGTGTTTTTCCC  
ATATGTGCCATAGATACGTTACAATACTCTGTAGATGCAAATGGCAATCTTGTGATTCTAAATCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2849 NM\_130083|Arabidopsis thaliana GOS12 (GOLGI SNARE 12); SNARE binding (GOS12)  
mRNA, complete cds

AATTTTGTAGATGGCAATGACGGATCAGAGCCTTGAGTTGCAGGAGTCCGGTTGGGAGGAACTGAGGCGTG  
AAGCTCGTAAGATCGAGGGCGATCTCGATGTCAAGCTTTCCTCCTATGCAAAGCTCGGTACCAGATTCCTCA  
AGGAGGTTATGTGGATTCTGGTTCATCGTCTGTTGGTTCCAACAGATCATGGAAGTCTATGGAAATGGAAATC  
CAATCTTTACTTGAGAAATTGTTGGATGTTAATGATTCAATGAGTAGGTGTGCTGCATCTGCAACACCAGCTAC  
CTCCATAAATCAAAAAGTAGCAAGACACAGGGATATCCTCCATGAATTTACACAGGAATTCAGCGTATCAAA  
GGAAACATTAATTCAATGAGGGAACATGCAGAACTTTGAGTTCTGTTAGGGATGACATCAACGAGTATAAGT  
CACCTGGAACCCATGTCCCCGAGAGTGCAATTACTGAGGGAAAGAGCTGCTATTCATGGAAGTATTGCTCATA  
TGGACGAAGTAATAAGTCAAGCCCAAACTACAAGGGCAGTCTTGGGGAACCAAAGGGTTTTGTTTGGAGATG  
TTCAAGGAAAAGTGAAGCTTCTAAGTGACAAATTTCCAGTTATACGTGGCCTTCTAGGTTCCATTAGAAGAAG  
GCGGTCAAGGGACACAATTATTCTGTCTGGAGTCATTGCAGCATGTACCTTGTTTCTCATTATCTATTGGCTCTC  
AAAATGATTAAAAAGGTGCGAATTTGAAAATTTGGAGTTTTGTTTTGTAACCTCTTTTTCTTTGAAGTAAGCG  
ACATGGAGATCGAAGATTTTTAGTGTCTTGTGCCCTTAAATTCGAATATCTTTCTTACAAAAAAAAGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2850 NM\_120590|Arabidopsis thaliana UBC22 (ubiquitin-conjugating enzyme 22);  
ubiquitin-protein ligase (UBC22) mRNA, complete cds

AATCAATCATTTCAAGGAAAGAAGCTTTCTTTCTCTCAATACTTTTCATCGTCTCTGTTTCCGCCCATCTTCTTC  
TTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTTTTCAGTTTGGTTCCTGAGAACAAATCAGAGCCACGGAGATTCTTC  
AAAGGTTCTTCTTTGCCTCTGGATTGTTTACACTCAGCATAGTGGAAGTTTTTCACTCCAGTTTCTGTTGATTGT  
TGAAAAAAGTTAATTCAATTTAGCAGTTGTGTAGAAGTGGTCTGTTTTCCCCCACTGGATATGGCCACTAATG  
AAAATCTTCCACCAATGTTATAAAGCAACTTGCAAAGGAGTTGAAGAGCCTTGATGAATCCCTCCTGAAGG  
CATAAAAGTAGTTGTTAACGATGATGACTTCTCAACAATATTTGCTGATATTGAAGGCCAGTGGGGACTCCCT  
ACGAGAATGGTCTCTTCCGCATGAAGTTGATATTGTCCCGTGATTTCCCATGTTCTCTCCCAAAGGTTACTTCC  
TTACAAAGATCTTCCATCCGAACATTGCAACGAATGGCGAGATTTGTGTCAACACTTTAAAGAAGGATTGGAA  
TCCAAGCCTCGGATTGCGACATGTTTAATTGTTGTTAGGTGTCTACTGATTGAACATTTCCAGAATCAGCTTT  
GAATGAACAAGCTGGCAAGATGCTGCTTGAAAATTATGATGAGTATGCCAGACATGCCAGGCTCTATACAGG  
AATCCATGCAAAACCAAAGCCGAAATTCAGAACGGAGCTATCTCCGAGTCAACAACCGCCCTCAATCTCGAC

CCAACAAATGCGTCAGCACTTAGTACAGATCTGAAAAACGCATCTGCCACTGCATTGCCTTTGGCATGTCCAAC  
TGCCCCATTCTACTA

>trans\_c\_2851 Novel Gene

TTTAGGGTTCTTCAACTTTTTTCAAAAAGAGCAATAGGAACCTTAGTTTTCCACGCGCGAGCCATTTCTCCTG  
CTCATCTCCTCCTTCGATCTTCTTTATTCTTCGCCACTTCGCCGCCCTCCTCTCCCGTTCCTTCACCTTCGCTCTTCT  
TCGCCGCCGCCTCACTCCAAGGACATTGCCCAGGATCTACTTCCAGTTACGACATGAGCCGACCAATGGAGGA  
AGATACTAGCAAGAATGAGGAAGAAGAGTTCAATACTGGTCCACTTTCCGTGCTCATGATGAGTGTTAAAAAT  
AACACTCAGGTTCTCATAAATTGCCGCAATAATAAGAAGCTTTTGGGACGTGTAAGGGCCTTCGACCGGCATT  
GTAATATGGTTCTGAAAAATGTTAGAGAGATGTGGACTGAGGTACCTAAACTGGGAAAGGCAAGAAAAAG  
GCTCAGCCTGTTAACAAGGACAGATTTATCAGCAAGATGTTCTCAGAGGAGACTCGGTCATTATCGTTCTTA  
GGAATCCCAAGTAAGAAGAGTTGATCATCTCATCATATGTTTCAGTTTGGATTCTCGAGTCTACTCCATTTGTCT  
ACCAATCTTTCTCCTTGTATCATCAAACCTTTCAATTTGATAGCCTGATCTTCTGCTAAGCTTGGGGCTATCTATA  
TCAGTTTGTAGTATTTTAAATTTTCTTCTGCAAACCATCTTACCAAATACTGTAACCTAGAAAAGTGATCTG  
TTTAGGTATTGGAGATTATTTAGTAGAAATTCCATATGTTTTGACGTGTGTATTGAATAGAGTTTATCTTTGCA  
ACTGTTGAGACGTTATTTGTTTTGATCACAAGTGATATTATCATTCATAAATATGATGACCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2852 XM\_002318625|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA909), mRNA

GAGGAGGCATTTTACACTACTGACAGAGTAATGACGGTTTCTTTTCATAAATTTGGGGATTCTTTCCAGGGAC  
TGGGCACATTAAGGATGTTGGAGTAGGGACTGGTAAAACTATGCCCTTAATGTCCCTTAAATGATGGAATG  
GACGATGACAGTTTTCTGTTGCTGTTTAGGCCACTTATCAAAAAGTTATGGAGGTGTATCAGCCAGATGCAG  
TAGTACTCCAGTGTGGAGCTGATTCAATGTCTGGTGATAGGTTGGGGTGCTTCAACCTATCTGTAAAGGGCCA  
TGCAGATTGTCTTCGTTTCTTGAGATCATTTAATGTTCTTTAATGGTATTAGGTGGAGGAGGATACACAATCC  
GCAATGTTGCTCGCTGCTGGTGTTATGAGACAGCAGTTGCTGTTGGAGTTGAACCAGACAATAAATTGCCTTA  
CAACGAGTATTTTGAATATTTTGGACCTGATTACGCGCTTACATAGAACCATCAAACATGGAGAATCTAAATT  
CACCTAAAGATATGGAAAAGATAAGGAACACCCTGCTGGAGCAACTCTCTAGACTCCCACATGCACCCAGTGT  
ACCTTTCCAGATGACTCCCTCGTCTGAAGTTCCGGAAGAGGTTGAAGAGAACATTGAACGTAGACCCAAACGC  
CGTATCTGGAATGGTGAGGATTATGATTCTGATTCTGAAGAAAACCGAAAGCGACCAAATATTAGTGAAGGA  
ACTGGTGTAATAATCTTATGAGGGACGTAGTAGATGACATGGAGGAAGATAAAAACATGGGCCATCGATGT  
TGTTGACACATAAAAACCCATGGTCAGTGTAGAGTTCCTGACGACCTTGAAAGTTAACAATTCGATAAGAAC  
ACCTAGGATCAAGCCATACTTTTAGAA

>trans\_c\_2853 XM\_002329737|Populus trichocarpa glutaredoxin S17 (PtrcGrx\_S17.1), mRNA

GAAAATTGAGATCGTCTTCTAGGTTTTTTCTCTATTGAATTTAGACTGAAGTTTTCGATCAATCCTCTCTTTGT  
GTGCTGCGGGTCAGGAAGAACAATGAGTGGCTCTGTGAAGGACGTGAAATCTAAGGCGGAGCTTGACGCAC  
TGCTCCGGAGTGATGCTTTGGTTATCCTCCATTTCTGGGCTTCATGGTGTGAAGCTTCCAAGCACATGGACCAG  
GTCTTTTACATCTTGCTACCGATTTTCTCACGCTCATTTCTTAAGGGTTGAAGCTGAAGAGCAACCCGAAATA  
TCGGAGGCTTACTCAGTTGCTGCCGTGCCTTACTTTGTTTTATCAAGGATGGCAAGACTGTTGATACCTTAGA  
GGGGGCTGATCCATCTAGCTTGGCTAATAAAGTTGCTAAAGCTTCTGGTGCAATCAATACCGGAGAACCAGCA  
GCTCCAGCTAGCCTTGGGATGACTGCAGGACCCGCTATTCTTGAAACAGTGAGAGAGTTGGCAAGGGACAAC  
GGTTCTGTTACTGAAAGCAAGGTGCCACCTGGACTGAGTAGTGCTTTCAGAGAAGAAAATTCAGCAGCTTATTG  
ACTCTAATCCAATTATGCTATTCATGAAAGGAAACCCCGAGGAACCAAGATGTGGGTTTAGTAAAAAGTTGT  
TGACATTTTGAAGGAAGAAAATGTGAAATTTGGAAGTTTGTATCTTATCAGACAATGAGATTCGTGAGGGA

TTGAAGAAGTTCTCTAATTGGCCAACATTTCCGCAGCTCTATTGCAAAGGGGATTTACTAGGCGGGTCTGACA  
TAACCATTGCAATGCACGAGAGTGGTGAAGTAAAGGAAGTCTTCAGAGATCATGGCATTGAAAGCATAGTTTC  
TGATGAGGTAAAGATTGCCAGGCT

>trans\_c\_2854 AP009376|Nasturtium officinale chloroplast DNA, complete sequence

TATCCTTCGCCAAGATAATCCCCTCAAAAGGGGGAGGTCCGTAGCATAGTTTTTTTTTTCAGTGCAATAAAGTT  
ACATAGTGTCTATTTTTCTTGATAAAGGGGTATTTCCATGGGTTTGCCTTGGTATCGTGTTACATACCGTTGTAT  
TGAATGATCCCGGTCGTTTGCTTTCTGTTTCATATAATGCATACAGCTCTAGTTGCTGGTTGGGCCGGTTCAATG  
GCCCTATACGAATTAGCAGTTTTTGATCCCTCTGATCCTGTTCTTGATCCAATGTGGAGTGTCCCATACAAGCA  
ATATGGGAAGTACTGAGCTTTAGGAATAACCAATTCATGGGGGGGTTGGAGTATCACAGGAGGGACTATAAC  
GAATCCGGGTATTTGGAGTTACGAAGGTGTGGCCGGAGCACATATTGTGTTTTCTGGGATTGTGCTTCTTAGC  
AGCTATCTGGCATTGGGTGTATTGGGATCTAGAAATATTTGTGATGAACGTACAGGAAAACCTTCTTTGGAT  
TTGCCGAAGATTTTTGGAATTCATTTATTTCTCTCAGGGTTGGGTTGCTTTGGTTTTGGTGCATTTTCATGTAACC  
GGATTGTATGGTCCGGGAATATGGGTATCCGATCCTTATGGATTAACCGGAAGGGTACAAGCCGTAAATCCT  
GCGTGGGGTGTCTGAAGGGTTTGATCCTTTGTTCCGGGCGGAATAGCCTCGCATCATATTGCAGCAGGTACAT  
TGGGCATATTAGCGGGCCTATTCCATCTTAGTGTTCTGTCGCCCAACGTCTATACAAAGGATTACGTATGGGA  
AATATTGAAACCGTCCTTTCCAGTAGTATCGCTGCTGTATTTTTGCAGCTTTTAGCCGCTAGCGATGCGACATC  
TGAGAGGTGTAGTCGTGTGTG

>trans\_c\_2855 NM\_116220|Arabidopsis thaliana plastid-lipid associated protein PAP / fibrillin  
family protein (AT4G00030) mRNA, complete cds

ATGGAAATTGCATCTGTTCCCTTCTTTACTTCTACAATCTCACCCATGGCCAAATCCCTCTCCCTCCATCTCTCCC  
CTTCATTTCCCTTCTTCCATTACAACCCATCTCTCACATCTCCCCAAAATATCTTGCTCTTCCATTTCTATTCAAT  
CTCAATCAGCTAAACACCAGCTTCTCACTCTCATATCTGACCAAGAAAGAGGTCTCAAGACCCAGAAAAATCCC  
CAGAAACTTGCTTCAATTGTGAAATCAATCGACGACTTGGCTTCTCTTGCCGTAATTCTGTCACTACCGACGA  
TTCATTTCTGCGACATGGCGTCTTCTGTGGACTACTGAGAAAGAGCAGCTGTTTCATCATTGAGAAGGCTCACT  
TGTTTGGTACTCAAGCTGGGGACGTTTTGCAGGTTATTGATGTTGAGAAAAAGAGTCTCAACAATGTTATCAC  
TTTTCTCCAGATGGGGTTTTCTTTGTTCCGGTCCAACATTGAAGTTGCTTCTCTCAGAGAGTGAATTTAGATT  
TACAAGTGCTGTTCTGCGAGGAAAAAACTGGGAGATTCCGTTACCACCATTTGGACAGGGTTGGTTTGACACA  
GTATACCTCGATGACGAGAACCGGGTTGTAAAAGATATCCGAGGTGATTATTTGATTGTTGAACGTGCTCCCT  
ACAGTTGGACAGAATGAAAGCTGAATCTTAAGTTTTCAATGCTGCTGTACAAAAATGATGTAGTTGATCATAG  
TTGTATTACTCATCTAATGTTTTCTCCAAGTAGATTCATCCTCATGGTATCTGTGTTCTTATCATGCAAGACATG  
CAACAACCTCTCACTGTATATATTTAAGCTTATAAGTATTTCCACTTTATGATTTATAAGTAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2856 AF243367|Glycine max glutathione S-transferase GST 12 mRNA, complete cds

TGATCACAAAAAATTTGAACATTCTTCATACACAAGATTAAGAGATGGCTGAGCAAAACAGAGTGGTGCTTT  
ATGGAATGTGGGCTAGCCCTTTTGCTAAGAGAATCCACCTCGCTCTTAAATCAAAGGCATCCCTTTGAATAT  
GTGGAAGAAGATCTCCAGAACAAGAGTCCAGATCTTCTCAAATTCATCCTGTTTACAAGAAAGTTCCCGTACT  
CGTCCATAATGGAAGATCCATTTGCGAATCAGCTATAATTTTTGAGTACATAGAGGAAGTTTGAACAATAAT  
GGCCCTTCTTCTACCTCAAGATCCCTACAAACGAGCCCAGGTTTCGATTCTGGGCTGATTACGTTTCAGAAACA  
GGTGTTTGAGGGATTGTTTTGTTAATGAAAACAGAAGGGGAAGCACAAAGAGAAAGCCATTGAAGATGTGAA  
AGAGAAGCTGAAAGTTCTTGAAGAACAGGGGCTGAAGGATTTATTGGCAGAGGGAAGTACATTTGTGAATG  
GAGACGAACTTGGATGTTTGGACATAGTTATGTTGACAGTGCTTGAATGTACAAGGTTTCATGAAGAGTTTTT

TGGAGTGAAAATTGTGGAAGAAGAGAAGATCCCAGTTGTGTTCTCATGGTTGAATAGATTGATTGAACATCCA  
CTTGCAAAGGAGGTTGCTCCTCCCAAAGAAAAGGTTTTGGGGTTTCTCACTTCATTAGACAAAAATTGCTACC  
CTCACAGGCTGCTGCTTAACGCTCTTCACATGTGTACTAATAACAATAAAACCTTAATTCGCTCTCTAAAG  
TACTGTATTGTGATTTTACTCCATGGTTTTCACTTTTCAATAATAAAATTTGATATGTTTTCTGCCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2857 AY107464|Zea mays PCO113489 mRNA sequence

TGGAAAAAGAGGTGGATACATGGAGGTTACTGGTTTCAGTCCTGAGATAAGGGAACAAATATATAAAGTGGC  
ATCGGTGAATCTGTGTTCTAACATTTCCGGCCAGATTCTAGCCAGCCTTGAATGAATCCCCAAAGGTTACTT  
TCGTCTCTTTCTGTGATTCTATCTGGCACGTTTTGCATCTCTTCTATTCTTGCATGGAAAGGACAGAATTGGG  
AATATGGGAAAATGGAATAAGGTTGGAGATGAATCTTTGAATCATATAGCGCAGAGAAGGATGGAATACTA  
TCTTCGCTGGCAAGACGTGCAAAGGCACTGGAAGATGCTCTGAACAGTCTAGAAGGTGTCAAGTGCAACAAA  
GCTGAAGGAGCGATGTATCTCTTTCCTCGTATTTACCTGCCCCGGAAGGCAATCAAAGCAGCTGAAGCTGTCA  
ATACATCTCTGATACTTTCTATTGCCGTGCCTCCTTAATGCTACTGGAATTGTCGTTGTGCCAGGTTCTGGTT  
TTGGTCAGGTTCCGGGTACATGGCATTTTAGATGCACCATACTACCTCAAGAGGACAAGATTCCAGCTATTGTT  
TCACGTTTGACAGAGTTCCACAAACAATTCATGGAAGAGTTCGCGACTGAGTACCTGCTGCAGAACCCATTTT  
TTAAATTATGAGCTCTATTTTTTGGATGATCATGATTTTCCATTATGAACTTCACTTCCCAATTTCTCTCTAAATT  
AAATAATAGTGTTAGACTGGTAATTATTTTTTTGCTACCTCAAAAGTTGAAATATAGGGAATGAAGGCCAATC  
AAATATTGCTAAGAACTCAAAGAAAGTGACTTCCTATCCCTCCTTCTTGTCTTTCAAGAAACAACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2858 GU397094|Begonia floccifera voucher Glasgow Botanic Garden 03009989 tRNA-Lys  
(trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GAAGTAACAGATTCTGCCATACTATCGGTAGAGTTTGTAAAGACCGCGACTGATCTTGATAGGAATGAATGGAA  
AAAGCAGCATGTCGTATTAATGGAAAATTCTAGTAATATTTTTACCTTACTAGATTAGGCCAAACTTGTTTGAA  
TTCTTGATGCGGAAAAAAGTAAAGTCGGGTGAATGAATAAATGGATAGGGCACTATGCTCCAATTATAGA  
GAAATAAAAAGTAACGGGCTTATGTTCTTAATTTGAATGATTGCGCGATCTAATTAGACGTTAAACTATATTA  
GTGCTTGATGCGGGAAGGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATTTTTTTCTAAGTCCTAACTATTGGTTACTCT  
ACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATAAAGAGTTTTTTTTCCAACCTTTGAAGG  
CCGAAGAGGGGAAAGGTTCTAAAGGATTTCTAACCATCTTTTTATCCTAAAATAGAAACCAATTAGATGACA  
AAAGAAAAGAGAGGATAGAGAGTCCGTTGATAAGTCTTACCTATTTACGAGGTATCTATTATTATTCTTTATTT  
TACTGTAATACCTTGTTTTGACTGTATCGCACTATGTATCATTTGATAACCCAATAAATCCCATTATCGTATCCCC  
AGTTCAAATCAAATTTTAAATGGAGGAATTTAAAGGATATTTAGAACTTGAGAAATCTCGGCAACGTGACTTC  
CTATACCCACTTATCTTTCGGGAGTATATTTACGCATTTTCTCATGATCATTTTTTAAATGGATCCATTTTGTTGG  
AAAATTCTGGTTATGACAAAAAATCCAGTTTACTAATGGTAAAACATTTAATTACTCGAATGTATCACCAGAAT  
CATTTTTTTTTTTTGTCT

>trans\_c\_2859 NM\_001036980|Arabidopsis thaliana LPA2 (low psii accumulation2) (LPA2) mRNA,  
complete cds

AAGGGAACAATAAATTTTGCTAATTCCCAATTGAAGCAAACCTTAACCAAATAAACTGAAAATGGCGCTACAA  
ATACTCCATCATTCTCCCTCTTCTTACCAAAAAACCTATCATCTTCCCAACCCATCTCTCCATTTCTCTCTAA  
ACCTAAATTCATCATCAAATCTCAGAACCCGTCTGAATCTGAGAAACCCATTTCCAAAATTGTTGATGATGCTC  
CAATTGCGACTTCTCCAAGCCATATACCTCATCGTCTCAAGGTTTCGGCTCTTCATCGCCTCAATCGACGTCCA  
CGAGCAAATCAACTCCAAAGTCTGTGAAGCAGAAGGGTAAGCGTCAAAGGGCATCCATTATTCGGCGCTCTC

>trans\_c\_2860 AY258007|Nicotiana tabacum TGB12K interacting protein 2 (TIP2) mRNA, complete cds

>trans\_c\_2861\_BT030007|Arabidopsis thaliana At2g26110 gene, complete cds

>trans\_c\_2862 AL161565|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 65

TCAATGATAGAGGTAGAGCTTCTCCAGATACAGAGGCTTATGATGACACTGATAATCTTTATGCTTATGGTAAT  
CAACAGCAAAGTGGTGAAGAAGTTGGAAGTGAATTGCAAGATCTTAAATCTTCCAATTTAGAACAAAAAGGTG  
ACACGCCTGAGGATTCAGGACCTGAACTGGTTAAGTACCCTTTGCCAGATGATGCAGGCTCAAAGGCAAGTA

ATTCTGCTGTTGGGAAAGATCCTCCATCCGAGCCAAAACCTTGCTAAAGATTCTGATGATTTAAGTAACATAGAT  
TTGGGGTCTGAGGAGGTGAAACATAGTACCAATATCAATGAACTGAGAAACACTGTGTGGCAGAGAAACTA  
TCTGTCCAGAATGAAGCTGGTGATGGTGATTCTTGGTGAAGCAAGAGACCGATCTACTAGCATTCTGCAGAT  
TTACGAAGTTCCCCACCAAACTCGCTCTGCATTGGCATAACAAGGTTTCTAAGGCAGATCCTATTACAACCTGCG  
TCAGAACAACCTTCTGTTATCAACACTAACAGAGATTCTGAACTTCACTTGACAGTAGCCCTTCAGCTGTGC  
ATTATCTGGTGCTGTATCAGCTAAGAAACACGATGTCGAGAATATAAATTCCAAAAGTTCTAAACCCGAAGCT  
GTTGAAAAAGCTGGAACAATGGAGGAGCTATATCCTAGATACAGTGAGAAGGCTGGCTCTTTGTCATCTCAAT  
CTTCCAGCATGGACCATTTTGAATGAGAGCAAGGAAGAATCTTGCCAAAGTCCTGCCGTAGTTGGAAGGA  
GTGATTTGAGGTTTGAAGAAAGGGGTCAAAGCGATCTTTGGATGAGAGTGATGTAGGGTAGGGGAACAAA  
AAACCAGAGAATGGATTCCCGTGATGACT

>trans\_c\_2863 GQ377251|Populus trichocarpa zeta class glutathione transferase GSTZ2 mRNA,  
complete cds

AAGAAATATTCAATTTGAGTTTCGTCTTTCTGTTTTGGTCTCTATAAAAGTTTGCTTCATCTTCTCTGTTGTTAAG  
CGTAAGGCTATGGCAGTGGACGAAGAATCTCCGTTGAAGCTCTACTCATTCTGGGCCAGCACTTGTGCCAAC  
GTGTTGCAATTGCCCTCAACCTAAAAGGGCTAACTTTCAGTACAAAGCTGTTGATTTATTGAAGGGAGAGCA  
TTTGCTCCTGAGTATCTAAAGCTCAATCCTGTTGGTTTTGTACCTACTCTTGTGGATGGGGATGTTGTTATTGC  
TGACTCTTTTGCTATAATAATGTATTTGGAGGAAAAGTATCCTCAGCGTCCTTTGCTGCCTACTGATCTTGTTAA  
AAGGGCTATTAATCACCAGTTGCAAATATTGTTTCTCAAGCATACAACCTCTTCAAATTTAATTGTTGAGA  
AATACCTTGAGGAAAAATGTGGTACTGAGGAGAACTTTCTTGGATTACATGATCATTGGAAAAGGTTTTTT  
AGCACTAGAAAAGTTGCTGACAGTTGAAGCTGGAAAATTTGCTACTGGAGACCAAATTTATCTGGCAGACTTG  
TTTTTGGCACCTCACTTCATCGGGCCATTGAAACATTCAATGTTGATATGTCCAAGTTTCCAATTCTATCAAGG  
TTGTACGAAGAATACAAGAAGATAGCAGCATTTGAAGATGCAGCACCAGAAAACCAACCCGATGCTCCCTCTC  
AAAAGTGAAGATTTATAAAGTTTAGCTAAATTTAACAATATAGTACTTATTCATTTTAGGTGTTTTGGTGGTTGT  
TGTTGTCGATGGGTTTTTGCAGTTTAATTATAGTATTTATATTTGATGATGGAATGTGATGCGTAGTGTTGTT  
AATAATAAGAATATT

>trans\_c\_2864 AB206873|Prunus persica mRNA, microsatellite marker M21a

AATAGCCTAAGAAAGAAAAAGGCAGAGGAAAGGAAATAGCGATTCTTCATTCATTCATAGAAACACAACT  
AAAGGGGGCATTGGTTTCAAGAAAAATCAAGATCAAGGACCAAAGGGAAGATGCAGACCGACCAGAATCC  
ACCGCAGCAACTTCAAACAATGTTAGAGAATTCTGGAAATTTGAGTTTCAGTAGTAAAGAAGACGATGAGAT  
GTCCAAATCGGCGCTTGCTGCTTTTAGGGAAAAGGAAGAAGAGATCGATCGCATGAGGACTGAGCTTCACAA  
CAAAGTTCAAGTTCGTCTCGGCCGTGTTGAGGAAGAATCCAGGCGTTTGTCTTCACTTCGAGAGGAACTTGAA  
GCCATAGGAGGAGATCCAATGAGGAAGGAAATTGGACAAATTCGTAAGAAAATTGATGCCCTAAACAAGGA  
ATTGAAGCCTCTTGAGTAACGTGCCAAAAGAAGGAAAAAGAGTACAAAGATGCCCTTGATTCTTTAATGAA  
AAGAACAACGAAAAAGTACAGTTAATATCAAACTAATGGAGATGGTTGGTGAAAGTGAAAAGCTGAGGCTA  
AAGAGTTGGAAGAATTGAGTAAGCATGTGGATAACACTTCCAATTCAATTACTAAATTCATCAATGAATC  
AGTTTCTATTAGTTTCCTTTGGGGTTTTTATGTTGTTTTCTTTTTCTTAAAAATGTTTGTATTGGGTGTTTGAAA  
TTTAACCGGGTCTGTCATATGTTTTTTATTTCATTTTGGTTTAAATTTACTTTCACTAAACATTCTATTTTAGG  
ATCATATTTATATATGTGTATGTAGTGCTCTTAACCTTACAAATATATCTTGATCTAAAACCTTTCACAATTAGAA  
GTCTATTACTTACGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2865 AY162180|Populus tremuloides cellulose synthase (CesA7) mRNA, complete cds

TGCTATTCTTATTTTCATGGCACTCTTCATTTCTATTGCTGCGACCGGTATTCTTGAGATGCAGTGGGGAGGTGT  
TGGGATTGACGACTGGTGGAGAAACAAACAATTCTGGGTATTGGAGGTGTTTCGACACATCTTTTTGCTCTC  
TTCCAAGGTCTACTCAAGGATTTAGCTGGTGTAAGTACAACTTCACAGCTACATCCAAAGCAGCCGATGATG  
GTGAATTCTCAGAGCTCTATATCTTCAAGTGGACATCGTTGTTAATACCTCCCACGACCTTATTGATCATAAACA  
TTGTTGGTGTGATCGTTGGGGTCTCAGATGCCATCAATAATGGGTATGATTCTGGGGCCCTCTTTTCGGAAG  
GCTATTTTTCACTCTTTCGAGAGTATCCACCTCTACCCTTCTTGAAGGAGTTGTTAGGGAAACAAGACCGGT  
TACCGACGATCATTGTTGTTTGGTCAATTCTTTTAGCCTCAATCTTAACTTTACTCTGGGTAAAGAATCAACCCAT  
TTGTATCCAAAGACGGTCCTGTTTAGAAGTTTGCGGGTTGAATTGCGACTAGGAAACACATTGGTCGGAACG  
AGACCGGACGGGACGATTATGGCTTTTGCAGGAAATTTGACTAATTTTTGTTGGAAGAAAGTTAATGCAGTAT  
GTTGTAGATAGAGAGGGGTTGGGTTAGTTGTTGTTGAAGGTGAGTAATTGTTATTTGTTCTATAGATTTCTT  
TGATTCTTTTATTAATAATTACTCTGGTCTCTGGGTGCTTAATTATAGCCCTTACTAAATTGCTCCTTATTTTTGT  
CCCATGAAAAACATGAACCTAATATAATTTATCCCTGTCAAACCTTGGGGGATATGTAAATTTGTCTCAT  
ACCTCCCCCATTTT

>trans\_c\_2866 EU770570|Eucalyptus grandis iron-sulfur cluster scaffold protein ISU1 (ISU1) mRNA,  
complete cds

TAGTCTCCCGAATTCGAGGAGAGAAACGAAATCGGTAAATATGTTGAGGTTTCAGTTCGAAGAGGCTTCTAGG  
GATTGCGTCTAGGGATTTGCCGTCACCGGCGGTTCAAATCGTTCCGCGGTTCTACCACGAGAGGGTTATTGAT  
CACTACAACAACCTCGAAATGTTGGATCGTTTGATAAGAATGATCCGACGGTTGGCACCGGTCTCGTCGGTG  
CGCCCGCTGTGGTGATGTTATGAAGCTTCAGATCAAGGTTGATGAGAAGACTGGTAAGGTTGTAGATGCTT  
GCTTCAAGACCTTCGGTTGCGGTTCTGCAATTGCTTCTCGTCGTTGCTACAGAAATGGTGAAAGGGAAGCA  
AATGGAAGAAGCCTTAACCATAAAAAATTCGGAAATTGCAAAACATCTCTCCCTACCACCTGTTAAGTTGCACT  
GCAGCATGCTTGCTGAGGATGCTATCAAGGCTGCTGTTAAAGATTATGAAGCCAAGCGTGCAAAATTGGCAA  
ATGGTGCTGAATCTTCTCCGTAGAGAAGGCTTCAAATGCTTAGCCATCCAATGATTGTAAATGATGTAAAAAC  
TGTTATACTTAATATCTGCCGTCCAAGGTGCGAGTTCTCTGCTCAGTTCTGAATATGGGATGTCAATCATAATTT  
ATAATTATCACCATATTTTACTTTATGTTGTGCTTTTATTTTCGATTTCCCCCTTTCTGTGATCTGGAAGGAAGTG  
TAGTGTTAGACCGTTGGATTTCTGGTCTTCAAGCCACTTTTGGAAGTTCGATGACACTTCGTTGCCTATTTCA  
ATGGCTGTGATTTAGCCGGTTCAGATGGCGGTTTTTTTTGTTTTTCATCTTCTTAAAGCTGACTTTTGGTAAAAA  
AAAATCTGTAGAAGATAAA

>trans\_c\_2867 NM\_123935|Arabidopsis thaliana FK506-binding protein 1 (FKBP13) (AT5G45680)  
mRNA, complete cds

GATGTGAGGGTGGGAGCTAATCCTCTTTTCTTTGATCTTCTCTGAAAGTAGAACTAGCGTTTGTGGAGATGA  
GCTCGCTGACAATTTTGGTCGGGGCTGTCACTCCCAGAACGCTTAGCTCCAAAGACATATCACTAGATAAATG  
TCTAACAACGAAACAAGTTTCAAATTTACTTACGTCCATACCCCGAAAATCAATTTTCTCATCAAGAACTGG  
AAGCGAAGGAAAACCCAGCTTCTTTCCGCGAGAAGAGAAGCAATTGGTTGTGGATTCTGCTCGGCCTTGGCA  
AGGTTCTTCTACAACCACTGCCTGCAGCTGCTGAAGTCACACCATGTGAATTCACAACAGCTCCTTCGGGCCTT  
GCATTCTGCGATAAAGTTGTCGGGTCAGGCCCTGAGGCTGAGAAAGGACAGCTAATCAAGGCACATTATGTT  
GGAAAATTAGAGAGCGGAAAGGTGTTTCGACAGCAGCTACAATCGGGGGAAACCGTTAACCTTTTGAATTGG  
GGTCGGGGAGGTTATAAAAGGTGGGATGAAGGTATTCTTGGGGGCGATGGAGTTCCAGCGATGCTTCCGG  
GAGGGAAGCGCGTGCTAAAGCTTCTCCAGAACTCGGGTATGGTGCAAGAGGTGCTGGATGCAGAGGAGGG  
TCATGTATCATTCTCCTAACTCTGTTCTCTTATTTGATGTGGAGTTCATTGGGAAGGCATGACATCAAACACAG  
CTTCGACCCGCTTTCGGATCCATATCCATCCCATATATCCTTCTTCTAATTTATTTACAGTTACTGTCACAATAT

TCTTATAGCTTATACATACTTGCTGCTTTTTCTCGGCCTCCACTTTTGAATTTCTATTGTCAATGTAGTTTTTGAC  
TTCTCAAGTTTCACCTCTCATTT

>trans\_c\_2868 NM\_001062117|Oryza sativa Japonica Group Os05g0421300 (Os05g0421300)  
mRNA, complete cds

AAAATCAAACCAAACCAAACACACCTAAATTTTGAATTTTCTTTTTCCCCCTTGCCTTTCCTCGTTGTTGCTGA  
CGATTACTACCTCGTTACTCAGCTTATCACAACCTACAAGCAGCTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTCTTTCTCTCTTT  
CTCTTTCTTTCTTTCTTTTTTTTTTATTGCTCCGAGTTCGGTTGATTTTCTTGAACCGACTCAGTAATGAGACT  
TTAGTTGTTTCCCTTCTGATACTTGAGTAGTTGCTGAGTACGGAGAAAGTTTCTACAGACTGTCCTTATCCGGG  
ATGTTTCTTTGTGTCATGAAAGAAGGAAATCCTAGTAAGCGCAAAGCGAGTATCTTGAATTCTTTAGAGAA  
CTTCCTTCTCAAGATGATGATGGTCAAGTTCTCCCCATTAGTGGCCTTTGGAACACAGCAATGGCACATCCTAA  
TGATCCTGAATTTATTGAATTGGGGATATTTGAATGTATGTCTGCACTTATATGGAAGGGACTGAAAAATCGG  
CGCTGGCTTTCTCACGACCAAAACATTTATATTCCATATTATGCTGCACATATCATTGGATCCTACACGATGAAC  
ATGGAGGAGTTTGTGAACTGCTGTGCATGCTGCGGTGATTCCACCACTAGTTGAACTTCTTAGCGGAAGAT  
TAACTTGGGTTGAGCAGAGAGTAGCTGTTCGTGCCCTTGGTCATCTAGCTACTTATGCAAGTACTTTTCCTGCT  
GTGGCTAGTCATGCCGAAATACTCGAGCTCTCAATTCACTGGCAATGAGTTCTTGAATTTGTTTATACTCA  
CTTTTACCAGTATGTGGACAGAAGGCTTAGTTATCATTGTGATCTGCTTACTCGTGGGGATGGGTGGGGGTCG  
AAATGGAAT

>trans\_c\_2869 NM\_121895|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family  
protein (AT5G18900) mRNA, complete cds

ATTCAATTTCCATCGAATTTCTCCGATAACTCTCTCTCTCCCTCTCCCTCTCGCGCGCGCGCTCTTTCTAGTTTG  
ATCCGATCGAGACTATGTTCAAATTTCTGAATCTGTTATTCTTCTTCTTGATTTTGATCTCATCGTTTGTTGCGGA  
ATCAACTTGTTCTTATGCTGGTTCGGCTAGCGCAACCGTAGATCCTAGTAGAGTGAAGCAGATTTTCATGGAAA  
CCGAGAGCTTTTGTATATGAAGGTTTTCTAACGGACCTAGAATGCGATCATCTGGTTTCTATAGCGAGATCCGA  
GCTAAAGAGATCTGAAGTTGCTGATAATGATTACAGGAAAGAGCAAGCTCAGTACTGTACGAACGAGTTTCAGG  
AATGTTCAATTTCTAAAAACAAGGATCCTATTGTTTCTGGCATAGAGGACAAAATTTCTGCATGGACTTTTCTTCC  
AAAAGAAAATGGGGAGGACATTCAGGTATTGAGATATGAGCATGGGCAGAAATATGAGTCGCATTATGATTA  
CTTTGTTGACAAGGTGAATATTGCCTGGGGTGGACATCGTTTAGCTACAGTCCTTATGTATCTCTCTAATGTGA  
CCAAAGGCGGTGAAACAGTTTTCCCTTTGGCAGAGAAATCTTCCACCGGAGAGCTTATGAAACAGACGAGG  
ACCTCTCAGAGTGCGCAAAGAAAGGAATTGCAGTGAACCAAAGAAAGGCGATGCCCTTCTTTTCTTTAGCCT  
TGAACCAAATGCTATACCAGACACAAACAGTCTCCATGGAGGTTGCCCTGTCCTTGAAAGGAGAAAAATGGTCA  
GCAACAAAGTGGATTACGTAGATTCTTTCAGCAAAAACCTTANGAGACATTGGGAATTGTACTGATCTAAATG  
AAAGTGGTGAGAGATGGGCC

>trans\_c\_2870 XM\_002318429|Populus trichocarpa SAUR family protein (SAUR22), mRNA

GGTTCCTCTTTGTTTGTAATATCAATCGTATATGTTGATTAGGGTGAAGACGAAGCTTCAATGACCAATATCCC  
TTCCTCCTTCACTCATTCTCTTCACTCTCTTACCCTCGCAATCTTCTTACCATCCTTGGCCTTTTTCTCTTTA  
ACATCTACCTTAACTTTCTGCCTTTTCCGATGGGTTTCGGCGGCGACAAGCATCATCAGCACCTCCTGCATCTG  
AATTTCCATTTCCACATTCATTTTCTCATTTTACCACCATCGGAACAAGGTGGAGACTCCCAAAGGATGTTTG  
GCCATTCTTGTTGGCCAAGAGCAACAGCGGTTGTCATTCTGTCAATTTATGTCAACCATCCTTTATTTGTTGAG  
CTCTGAAGGAGGCCGAGGACGAGTATGGCTTCGATCAGAAAGGACCAATCTCTATTCTTGGCCTGTCGACG  
ACTTTCGCACCCTTCAGGGCATTATTCACCATGATCACCATCACCACCATCTTCTGTCTCCTGTTTCAGGGATT  
CTTCTCATTCCCATTGCTGATATTGATGAAAAAACTACGTTAGATTTTAGTTTTAGCTTTTCTTCTTTCATTATT



>trans\_c\_2871 BT006398|Arabidopsis thaliana At4g30410 gene, complete cds

>trans\_c\_2872 XM\_002871356|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata short-chain dehydrogenase/reductase family protein, mRNA

>trans\_c\_2873 Novel Gene

TAACACACAAGACAACAATGCTGCAATGCTTAATGCTGCCTTCAAAGAAAAGGCAAAGTATGGGGGGTCTGG  
ATGGATTACCATTTTCAGCCAAGAGGGAGACTGAAATGCCACATCGGAAAGCTCCTGTTCAATCCTCTTTTTCT  
CATCTTCATCCCCACAACAAATAATGTCAAGTTGTTTCATCAATTTGAATCTCATCCTCCTAACATGAATTCTC  
AGGGGAGATTTAATGTTGGCAGAAGGAATAGTTCACCATGACTCGCCATCTAATCATCAATTTGTAGCAAACAT  
GCTTCGCCCTCTACCTCTGGATTATCTGGATTTGATCATTCGATTCATACCCAATGATGCAGCAGATGCAAA  
CTTCAGTTAATCTTCCACCACAGTATCTATTACAAGGGTTATCTAGAGGTGTAGCTCCGCCCATGGCTAACAGA

AGTCTTCTCTACATCATCACTCCGTCAGAGCTAGTGCAGCACCTCCACAACCCAACCATCAGGTTACTAGTTT  
GGTGGACGAACCTCAATTCAATGCAAGGATTTTCATATCGGTGAGCGTATCCCTAATATTGGTGGCCCCAGGATA  
CCCTCGCCAGCTCCTGGTAACCAACCGGACGCAATTCAGAGGCTTATCCAAATGGGACATAGATCAAACCTCGA  
AGCAAATTCATCCTCTTTTCAGCCAGTGGTGGCCATGGTCAGGGGATATACGGTCACGAGTTGAACATGGGTTA  
CGGGTACAGGTAAATTGTAACACTGTACTTCAAGCATACCTTACCCAAATCCCCAATTCCTTTGATAGAGAAA  
GAAAAAATTTGCACCTCTTAAGTGAGAATTGAGTGAGAAATGTAAGTAAAGAATCCTTCTTTCTCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2874 NM\_127530|Arabidopsis thaliana rps15ab (ribosomal protein S15A B); structural  
constituent of ribosome (rps15ab) mRNA, complete cds

CCCTCACAACCAATTGCAACAAAATTATATTCTGGGATTTTTGAAAAGTCCCTTCAAAAAAAGAAAAA  
ACCATAATCCCATAGTACTGAAGTGAACGCTCGAACTGACTCTTCTGCCGCTTCTCTCTCCGCCGATCACT  
AATTCTCGAATCGTCCTAGGGCTGACCAACTATTGCTCCCCCGGTGTTCAAACAGGCCGAGGTTTTGTATA  
TTTTCGTGACCGTAAGATATGGGAAGGAGGATTTTGAACGACGCATTAAGAGCTATTGTCAATGCTGAGAG  
GAGGGGAAAATCTATGGTGGAAGTGAACCCATTTCCACTGTCATGGCTTCTTTCTGAAAGTCATGAAAGAT  
CATGGATATATCAAGGACTATCAAGTTCACAATCCACAAGAGTTGGAAGGATAACAGTTGACCTGCAAGGTA  
GGATCAAGGATTGCAAGGCACTCACCTACAGGCAGGACATCAAGGCAAAGGATATTGAAGCTTACAGATTAC  
GAACACTTCCAACACTTCAGTGGGGTTATGTTGTGATTACTACTCCAGAAGGCATCTTGGATCATGAAGAGGC  
AATGAAAAGGAATGTTGGGGGTCAGGTTCTTGGATTCTTTCATTAGAGAGCCTCCTTGTGGCTGTTCTTGA  
TTTATGAGTTTTTCTTTCAAATGTTTCCCATATTGCATTGTGATCTTCTTATGGCTTAGTTTTCTATTGTGGCC  
TTTTGATTTTGTATTATCTAATCAAAATGGTGTATGCATTAGTGTATAGAAGGCAGGTAAGTGTCTCTCTT  
TGAGTGTTGTTGCTCCCTCCAAGAATATAAGCATAATATCAGTTTTGAACTCTCAGAAAATGAAAAAAGT  
TTATACAAAAA

>trans\_c\_2875 XM\_002867470|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata quinone reductase family protein,  
mRNA

ATCGTCAACGATTAATCAAAAACAAGAACAACAATAATCTCCAACAACACCTCCAATCACTGCATCAATGGCAA  
CCAAAGTGTATATTGTTTACTATTCCATGTACGGACATGTTGAGAACTTGCTGAGGAGATTAAGAAGGGAGC  
TCAATCGGTAGAAGGGGTCGAAGCCAAGTTGTGGCAGGTTCTGAAACATTACCCGAGGATGTCCTTGGCAA  
GATGAGTGCACCACCAAAAGTGATGTACCAATAATCACCCGAGCGAACTCTCCGAGGCCGATGGGTTTGT  
TTTGGTTTCCCAACTAGATTCGGTATGATGGCTGCTCAATCAAAGCATTCTTGATGCAACTGGAGGCTTTG  
GAGAACCAACAACCTTGCAAGCAAGCCTGCCGGTATTTTTACAGTACCGGATCCAGGGGGGTGGGCAAGA  
AACTACCGCGTTGACTGCCATCACTCAACTAACCACCATGGAATGATTTTTGTACCATTTGGTTACACTTTTGG  
TGCTGGCATGTTGAGATGGAGCAAGTTAAAGGTGGAAGTCCTTATGGAGCTGGAACCTTCGCTGGCGATGG  
CTCGAGAAAACCATCGACTCTTGAGTTGGAGCAAGCCTTCCACCAAGGAAAGTACCTTGCTACCATCACAAAG  
AAGCTCAAGGGATCAGCCTAAGCTTAAGTTTACCATACCAAAGTTCTGTTGAATAATCATTTCCATTTTTT  
TCACCATTTGAATTTCTTTTGTCTGCAATAAATCATTGGATTGTTTGGTTTCTATTGTATTATGTTACGTGTG  
CCTCACACTCACAATAGTCTTTTTTAATGATATATGCTTGATATTTTAGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2876 Novel Gene

CTTAGGCTTCGCGTTACCTCTCTTTCTCATTCCCACCGAGTTCATTTGTTTCGGTGACTTTCTTTTCAACCGTGCT  
TATGGCTGAGAATCTAGACGACGGCGAGTTTGGCTTCTTCTCAGTTTCTTGTTGATGATGATAACATGTTAC  
ACCAAAGCCTCGTGCTACCACCAACAAGAACATTGACCAAAAGTCTTGGGTTCCACTCCTTTCCAACCCCT

CGCTCTTCTTTTCCACTCGAGTTTGGGACTTTTGGTGGCTTTTCCGATTTTCGGTTCTTCTGGTGAATCTTTGAAG  
GGTTCAAGCGAGACGGAGAGTGATGAGGAGGAGTCTGTGCTGGCTTGACGACTCTCCGTGTGGCTCGTTCA  
TCAATTGATGATACAATGGTTTTGTCCAGATCTCCACAATCGACTCTGTGCGATATGGGGAGTGGAAGTGGTT  
GCAGTCAAGTTTCTAGTCGTGGAAGTCCAAAAGGAACTGTAAGACTCAATCTCCTCCGGCTACGTGGGATCT  
GTTACATGCGGCTGCAGTGGAAGTTGCTAGGATGCGAATCAAGGAGAGCCATGGGGTTCTTCATCACAACAG  
AGGAGCATCTCAAGTCTCTGTTCCGGTGAAAACCTCGACGACCGGCACCGGGTTTTACCAGCAGTTGCAGGCT  
CTACAATTTTCAGCACCTGCAACAGAAGGAAATTATGCAGCGACAAAACCTGACTGTGCGGTGAGCAGATAAACT  
CTCCAGCGGGGTATCAACATCAACACATCCATCAAATGGTTCCGAATGGAGTGAGAGGCTGTAGGGGATTTTC  
GTCACCTGCTTGGCTTCAACCGCCTCACGGCTCTGGAATGAGGACTCTGTTTCTAGGAACTCAGGAGGCAAA  
AGAGATGCGCTGGAACCTGGCGT

>trans\_c\_2877 XM\_002308824|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP98A27), mRNA

ATCTCAAGCAATTTGATAGATACATTTCTTAGTAAAGAAGTCAATCCATCATCCCAAGCAATTTGATAGTACCC  
AAAATTCACCATTTTAAATTCTTCATCTTATTTTTACAGGTCTATATTCGATTCCCAAAAAAGCGATCATGAA  
ACTGAATCACATAGCAGTGCCATTGCTATTTCTTCTTCTTGTGCTTCGATTTGGGGTTTTCCATTGAAGACCC  
ATTTATCAGGATGAACTGGGAGGCGTTTCGTGATTACATCGGCTCACAGAACCGCGTTGAAATCGAATCTCTC  
GCTCGTTTTGCAGTTCAAGAACAACAACAAGAGAATGGTCTTTTGAATTTGACCGAGTGTTGAAAGCTA  
AAGAACAGGTAGTTGCTGGTAAATTGTATCATCTTACATTGGAAGCCATTGATGGTGGCAAGAAGAAGGTTTA  
TGAAGCCAAAGTGTGGGTGAAGCCTTGGATGAACCTCAAACAGTTGCAGGAATTCAAGCTATGCACATGATTC  
ATCTTCAGTGTATGGTTACTTTGTCAGACTGGAGTCGAGAGTTGTACTGTACCATGTCGTAAAAATTTTCCAATC  
TTTGCTGTTCTTGGATGGCAAATAACTGAAGACTATCTATGCATACTCGTTCTCCATAGCCCGTTTGGATTGCT  
GCTGACAGTAGCAACAAAATAGAACATTAAACATTAAGGTAACTAACTGAGACATTATAAGAATGCTATTAT  
ATAGTTTGTATAATAATCGCGAAATGATGGAAGTGGTAACTAAGTTTGAAAAACAATAAGAGATGTATA  
TACTTTTCATGTAGAAATCCCTTTAAAGTTTGGTAATGATAATACTCGCAATTGTGTCAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2878 NM\_120583|Arabidopsis thaliana clathrin adaptor complexes medium subunit-  
related (AT5G05010) mRNA, complete cds

TCCCTGCAAATTCCTTAACCAAGAAGATGCCACATTCAAGTTCAGATTGAGACTGGTGGGAATCCTGGCATCCT  
TTTCAAACTCATCCTAACATGAATAAGAATTATTTTCCAATGAAAATATTCTCGGCCTGAAAGACCCGAACC  
GGCCATTTCTACTGGTCAAGGTAGTGATGCTGGAGTTGGTCTCTTAAAGTGGAGAATGCAAAGCACAGACG  
AATCAATGGTACCATTAAACAATCAACTGCTGGCCCTCTGTTTCTGGAAACGAAACCTATGTCAGCATTGAGTAC  
GAGGCTTCATCGATGTTTGACCTGCGGAATGTTGTCATCTCAGTGCCTCTTCTGCTCTTCGTGAGGCACCTAG  
TGTAAGGCAGATTGATGGAGAATGGAGGTACGATTCCAGAAATTCTGTCTTGGAGTGGTCTATAGTTCTCATT  
GATAACTCAAACCGCAGTGGATCAATGGAGTTCGTGTCCTCCAGCCGATTATCCGTATTTTTCCCATTTCT  
GTTTCGGTTTTTCAGCCACTAGCACATTTAGTGACATGAAGTTGTCAACATTTTGCCTCTTAGGGGCGGTGCTCC  
TCCCAAATATGCTCAAAGGACACAGTTGATTACGGAAATACCAAGTTGTGTGATTGGCGATGCCTTTTTTAT  
TAAAATTTTCCCGACATTTTGCAGTGAAGAAAAATCGTAGTTATTTGGGCAATTTACTTGTATATTTACTGTTTTT  
GAATTTATTGAGAACTGGAAGCGGCCATATGATGATTCATTCTTTTTATTTGTTTAAAGGATGTTAGAGT  
CCGAAGACATTGCAATATCATGTTGCTTAGTATATCACCCATCAAATTATGATACATAATCCTTGTGCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2879 BT025272|Arabidopsis thaliana At5g40690 mRNA, complete cds

AATCCTCTCTTTCTTTCTTCTCTCCTCACCTCAATTTACCACTCCAAAATGAAGAGGGAAGGTCGCCAACAT  
GGCATGGTAAGAACCTACCGGATCATCCCTTCCCCATGGAACCCCAGACCCGAAACTCGATTGTTAACGAGC  
TCGATTTCCCTCCTACTGCTGGCCTTTTCACTAAGGTCTCATCCAAGCCTACCAACCACTCCAAGTTCACCGGAA  
AATGCAGCAAGCCTCGATGCTCTGGTTGCAGGCTACACCCAGTTCAAAAGGCCAAGGATAAAACCAAGGGAT  
CTCGTAAGTTCAAGTTTACCAACTCCTCATTGACTTCTCAATGGATGACTTCAATGAATGCCCAGCATCATTG  
ATGATGACAGTGACGATCAGTCACTGGAGGAAATAGATGTTAAGTTGAGGGTTGGAGATATTCATCGCCACA  
ACGACGATGACTATCAGCTGCAGAAAGTAACAGATTTTGAATCAAGGGTTGAAGGTATTCATCATCATGTGGA  
TGATGAAGATGAAAGGAGTTACCACAAAGTGGAATTCGTCGTGGACGAAGCAGTGAGGGGAGATGACAGTT  
GGTGTGTTGGTAGAAGAAAGACAAGCAATCTAATGGACAATGAGGCAGTTGGAAAGTAACAGGCAGCTTGCA  
TCCATAGCTGTGTAACCTTTTCTGCCTCAAACTTTAATCAATGTGGATATGAATAATGGTTTCAATCTCTATTCA  
AACTTTACGAAGTGGGTTCTCTCTGTAAATCCAGGATTAGAGGGAAACACTTGGAATATCTAACTCTGTTCTTT  
GTATATCCTTTTCATTCATCTTTCACTGTTTTCTATTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2880 AF284038|Cucurbita maxima phloem serpin-1 mRNA, complete cds

ATTCAATTCTCAACGACCGAAGAACGACTTGGAGTTCCAAATCCCGTTTTCGATTATCCGTTTCTAAACCATC  
GATTCTCCGGCTACCGGAAAATGGATATCAGAGAAACGATCAGAAGCCATGGCGACGTCGCCATAGCCATC  
ACCAAGCACCTTCTCCTAAACGAAGCCAAAGCCTCCAACGTTGTCCTCTCGCCCTGTCAATCCATGTCGTTCTC  
AGCCTCATCGCTGCTGGTTCCAAAGTCCCTCCGCTGGATCAACTTCTTTCCTCCTCAAATCTAACTCCACCGAC  
AACCTCAACTCCTTCGCTTCTCAAATCGTAGCCACGGTCTTCGCTGATGCCTCTCCAGTGCGCGACCTCGCCT  
CGCATTTGCCAATGGGGTTTGGGTTGATCAATCACTTCTCTCAAACCTTCTTTCAAACAAGTTGTGGACACTCT  
TTATAAAGCCAAGCTCAGCCAAGCTGATTTCAAGACTAAGGCTGTGCAAGTGACTTCAGAAGTGAATTCATGG  
GCTGAAAAGCAAATAATGGACTTATCACAGAGGTTCTTCCCCCTGGATCAGTTGATAGTCTCTTAAGCTCAT  
CCTTGCTAATGCACTCTACTTCAAAGGGGAATGGGAAGAGAAATTGATGCTTCAAAAACAAAGAAACAAGA  
TTTCTACCTCCTTGATGGAAGTTCAGTGAGGTCCCCTTTATGACCAGCAAGAATAAGCAATATATAGCTACTT  
TTGAAGGATTTAAAGTTCTTGATTGTCATACAAACAAGGATCTGATCCACGTCATTTTTCTATGTACATCTTTC  
TCCCGGATTGCAAGGATGGATTGCCATCTTGATCCAAAACACTAGATTCCCAATCCGAAGTCATCGACCGCCAC  
ACTCCATATGAAAA

>trans\_c\_2881 NM\_116468|Arabidopsis thaliana exocyst complex subunit Sec15-like family protein  
(AT4G02350) mRNA, complete cds

TGATGATCGTTGGAGCCTTACAATCTGATTCACTAAAGAGGTTTAAATGTTAATGCTGTAATGGGGATTGATGT  
GGATATAAAATTGTTGGAGGGTTTTGTGGATAGTCAAGCTTCTATTTTCGCGGAGGAGGATCTAAATCAGTTA  
AAGGCAGCTCTTCTGAAGCAAGACAAATGATTAATTTGCTTTGAGCAGTCATCCAGAGAATTTCTGAATGC  
AGTTATTCGAGAGAGAAGTTACTACAGTCTGGACCACAAGAAAGTTGTCACAATATCTGAGAAGCTAAAAGAT  
TCTTCGGATCGGTTATTCGGAACCTTTGGAAGTCGGACAATGAAGCAGAATCCAAAAAAAAAAGTCACTGGATA  
CTTTGATAAAAAGACTCAGGGACGTGAGCTAATTGAGATAAGCATTTTCATGCTCTGTTTTCTATTTGTTTCTC  
TTTCTGCTGCTGATTGAAATAGCAGTTATATCTTATTGGTTCATTCTAACTTTGTTTCCTTTGTCTCCCAATT  
GTTGTCTTCTGTTTGATTAGAGATGTGCACATTTTTGTATATTATCACATTTATGTAGTTGTTTCATACTTGTTT  
ATCTTTGGAAAGTATCAGCAGCATTTTCATCCATGGAGACTCGGACTTGGAACCTGGTTGTGGTGATAGTCTT  
ATGTGCTGAAAACCTGGCCGCATCGGAGACTGATGATCAGAACTGAACCAAGTCCGTGTTTTGTGGATTACTCA  
TAGACATAAGGTTTAGATGGGCTTCCTTCCACAAAATCATTGATTGATTTACAGTCAATACCGCTTACAACCTG  
GTAATATGTCATTTGCCTTTAGTGTTGCCATTCTTTAATGATAATCTTTCATTTTTGTCTGTTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2882 XM\_002876605|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata metal ion binding protein, mRNA

CAGGGCATTACGAGATGACATTCTCTACTACTGCAAGGAACCTTAAAAAATTTCTGCTTACGATGATGATCAT  
CGAGCTTACCTCATGGATATGGGTATTAAGGCTCTAAGGCGATATTTTTTCTCATCACTTCCGATCCTACCTC  
TACTGTACTAAGGCAGAGGAGATGAAATTCACATCCTGGATGAAGGAACGACCTGAATTGGGTCACTTATGT  
AATAACCTCAGAATCCACAAGTAGTTAGAAGAACAAGAACAAGCTTGTAACATATATTGTTGATCAATATCCCT  
TATCCTAAATTGTCATCTCCCTCCCCTGTATGCATGCAATACCAAGCTTTCTTGATAAGTGTGAATAGAGTTTC  
CCATATGTAGATGGTGGTACTACAAGATGAAGTCAAACCTTAACACATCTATATTTGACACATTTATGATTAAC  
TGTTTCATCCAAGTAGACAATAATTGTTACCAAAAAAGACCAATGGAATGGTCTTTGATTGGTAAATTCATATACT  
CGAAATAATTGCTGTATTGACGGCAAAGATAAATGATAATGTCTCCCCAGAACATCTAGAAGCTGCATATTTG  
TCTCCATGAAGTTGGTGGCAGTCAACTGGGGGATGTGGAAGAATGTTTGTGGCAACATTGAGAGGGTCTCCT  
ATTAGAGAACTCCAAGCTCGTTGTGTGTAATGATCTAAAAGTATATTTGTCTCATTTTTGTGTAATATGCACTC  
TAGCTACGGTTAATCGAGGTATATGAGGTCGAAATGAAAATAAATGATGAAAGAAAATACTATAGCCATTTGT  
TTGTGTTGGACAGTGACAAATCTGATGCTGCCTTTGGCAAGAATTTGTGCTGGAAATAATTTGATCAAAGGAA  
TTTATAACATTGCATTA

>trans\_c\_2883 BT005253|Arabidopsis thaliana At2g38025 mRNA, complete cds

ATAGCCGTCGTGGGAGAGCGTCAGGCGTGTTTGAATATAATAGGCAAGCAAGTAGCGACTCTCTCTTCGTTCT  
TCTCCGATGGATATTATGGCGGAGAAGCCTCGAAATGCGTCAATTCTCGAGCAATTGCAACTAGGAATTGCTC  
GGTTTGAGTTCTCATCTTCTCCTGTAAGTTCAATTTACCTTCGAACTCAGTTGCTTCTTCTTCCCTTTGTCTATG  
AATCGTGGTCATCCACTCTTTGCTAAAATTGGACCCGTGCTGGGGATTGAATCGCCTGCATTGAGGAAAGCTG  
AGCAATACAAAGTCCAAAAAGTTACTGGAGATGGACGCTGCCTTTTCCGTGCGCTTGCTAAAGGAATGGCTTA  
CAACAGGGGGATTCTCTTCGTCCATTTGAGGAGAAAAATGATGCAGATGATTTACGCATGGCTGTGAAAGA  
AGTCATTTGTGACAATGACAAAGAAAGACGGCAGTATGAAGAAGCCCTTAGCAATTACTGTGGAGGAGCC  
ATTAGAACGCTATTGCCAACGAATTCGGACACCTGATTTCTGGGGTGGAGAGTCAGAGCTATTGGTATTGTCA  
AAGCTCTGCAAGCAACCTATCATTGTCTACATACCAGGGCATGAGCACAAAATGGGTTGTCGGGGCCATAGCT  
TTATTCCCATTGCAGAATATGGAGCTGAGTTCAAGGGAGGAAAGCCCAAGAAACCTGTGAGGTTGCTTTACA  
GCGGTAGAAACCACTACGATCTACTTGTGTTGAGAATCTTATCTGAAGGCCATCCCATTCCCATCTTGTTTTTGT  
AGTTTCGAGTATAAATGAGGCCATAGATTTGAATCAAAGACGACTTGATTTTGTACATATACAAACGTCAATC  
GAGTCTTGCCGATGTTGCTAAT

>trans\_c\_2884 XM\_002880139|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TTAAGAATAGTATCTCAGGTAAAGATTGGTGGTGGGAAGCAAGAAAATGGAGTTGGTACCAGTGGAATGTT  
AAGGAATATGTTATGGAGTGGATTGGATCAGAGATCAAACGCGAGAGGCCGAAGAGCGAATGGATTGCTGC  
ATCGTCAAGTGGCAGATCGGTTAAGAAGTCAGAGAAAAAGAAGAACAAGAAGCGATTAGAGTGGTGGATGG  
CTATGGATGATGAAAAGAGTACCAAGAATCTGAAAAAGGAGAAGAGAAGGCCAGTGAGGGAGTGGTGGAA  
GGAGGAGTATTGTGAAGAGCTTGCAAAGAAAAGGAAGAAAAAGAAGCCCCAAAAGGGGCAGGTAGTTGT  
GGTGAGAAAGAGCCTGACTTCTGGCCAGTGGATGACGAAATGTACAGAGAGAAAAAGAAGAGGAATAGAA  
GCAGAAGCCACGGAAGCCGAGGTAGCATTGATTGGTGGTTAGATGGGCTTAGCGGCGAACTCTGGAAAAC  
CGTGGGACCAGCCACGATTCAACCGGAGGGGATTTTCCAAGAGTGGTGGCATTAGTAGTACGCCAAGTATG  
AGAGGAACAATGTGCTATATTGCCCTGAATATGGTGGCGGTGGAGATCTTTCTGAGAAATCTGATGTTTATA  
GCTATGGAGTTTTATTGTTAGTTCTTATAGCTGGAAGAAGACCTCTTCAGGTGACAAATTCACCATTATCAGAA  
TTCCAACGTGCCAATCTCTTATCGTGGGCTCGCCATCTCGCCAGAGCTGGAAAGCTCATTGATTTGGTTGATCA  
ATCGATTAGTCTTTAGATCGAGATCAAGCCCTTCTTGCATCAAGGTTGCCCTGCTTTGTCTGCAGAAACTGC  
CTGCTCGCAGGCCCTCCATGAAAGAGGTTGTGGGGATGC

>trans\_c\_2885 BT025735|Arabidopsis thaliana At2g15570 mRNA, complete cds

ACTTCGGTTCCGTCAATCGCACTCTCCGGCTTCGCCCACTGAATTTTCCATCCATCTTCTTCGTCTTCCTCCTTAT  
GCCATTTTCTATTTGATTCTTCATTACTTCAACCTTCTTCTCTTAAACCATGGCCGCCTCCATCTCTTCTCTAC  
TCCTCAAACCTCATCCCCACCGCATTTCCTTACTCTAACCTCAATTCCCTTCGCCTTTTCTCTCCTCCTTCTAATC  
TCCGTATCAATCGCCGTCCTAATCCTCGAAATGCTTCTCTCACTCTCAACATCCAATGCATCAGTCAACCTAAAG  
CTGAGGTGGTACTAAAGACTCATGGAACAAAATGATTCTAGAGAGCGGAACCCCTGTCCTGGTTGAATTTTA  
TGCTAGTTGGTGTGGACCGTGTAGAATGGTGCATCGAGTCATTGATGAGTTAGCTGCTGAATATGAGGGGAA  
GCTGAAATGCTTTGTGCTCAACACCGACACTGATCTGCAAGTAGCTGAAGACTACGAAATTAAGGCTGTTCTT  
GTGGTTATGCTGTTCAAGAACGGGGAGAAATGTGATAGCGTCATCGGAACAATGCCAAAAGATTTCTATATTG  
CTGCCGTTGAAAGGGTCCTGAAGCAGTAGGAGACATGAGCAATCGAATCGGATATCTTTGGTAAGGTTGACC  
AGCTTGATTGTGCGAGTTGGTTGGCCATTTTGTGCTAAAGCTTTCCTGCTGGGTTACTAGTTATTGAGGTGAT  
ATAATAAATATAGCTTTTTAATCCCAAGTTTCTTACTTAGTTGGAATGGATTGTATAGCCCTCATTGTGTTGTCT  
TTTCGTTGTGAAGTTGTTATAAAACATTGCTTCATTGCATTCCACACTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_2886 XM\_002873523|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata THUMP domain-containing protein,  
mRNA

AAAATAGGATACAGTTTCTCTTTGGTTCGAACTTCCAAATTTGAGAGCTTGTTGTGTTCACTGTTCACTCTTCA  
ATGGCCGCCGACAACAACCTCCGCCGGTGGCAAGAAGAGGAAGCAGCGTTTTCTTCCCCACAACAAGCCA  
GTAAAGAAGAAGGGTCATTACCCATTACGCCAGGGGTTCAAGGTTTCTTATCACCTGTGATGGCGGCCGAG  
AGCGCCAAGCCTCCATTGAAGCAATCAACGTTATTGACTCCTTTTTCGACGAGTTAGCCCATGGAAAGAAGTGT  
GGTGTGAAGCTGACAGAATTAGCTGATAAACCTTTAAACAAAAAATTAAGTTTTAGATTCTGAGTCTTCTAG  
TTCAGACGATGATGATAATGAGGAGGAGGAGGAGGAGAAGGGCGATGATGATGAAAATAAGAAGGTTCTT  
GAGGAAGGGTCTAAGTCCCCCAAGGAGCAAAATGAACCTTCTAATGAAAATGAAACAAGTACGTTGTCAAT  
CCTAATCAAGAGGAGACTGTAGCTCCTGAAAATCAACAGAGGAAAAATCGAATGACAATGAAAGGGATATG  
AAGTGTCTGAAGTTCCATCGGAGGAAGTTGAGGAGCCACCAAATAAGAAACACTGCGTTGAAGCAGATGCA  
TCAAAAAGCAATATAAAAGAAAAAGAGAAGTCCATTGATCAATTGATTGAGGCTGAACTTCAGGAATTGGGA  
GACAAGACCAAGAGACGTTTTTCAATCTTGATTGGGATGTAATGGTGTGTTCTTTATCCAAATGCGGAAGA  
ATGATGGAGAACCTGGCCCCTAANGCTGTGTGCAGCATATGATGACATCTATTGCTTCAACAGGAACACATA  
TCANGGTTCACTTAGAATTCTGCCAAT

>trans\_c\_2887 Novel Gene

ACTTTCGCCGTCTCTAAAACCCCCAATTGGGTAGGGTTTTGTCTATATCAGGAAGCTTTTTCAAACATCCACATG  
GCCATTTCTCTGTTTTGTGATCGTTGGAGGGTTATGGCTTCATTGTTGTTGCTCTTGCTCTGCTACTCGTCTTTC  
AATCTGCTAAGGCTGATGATTTCAATGACCTATTGTCTCCTTCTCTCCCCATTTTTGAAAATGTTTGCAAAG  
AAGTGAAGTGTGGGAAAGGAACTTGTAACCTTCTGGAAATGGGAGCTTCTCGTTTGAATGTGATTGTGAATC  
TGGATGGAAACAGACTCTTTTTGATGATGATGATGATGATAGGAATCACTTCAAATTTCTCCCTGCATCATAC  
CCAAATGTAACCTTGACTCACTCGTGCTTTCGGCACCTCCACCGGGTATACAGACCAACCAAGAATTAACGG  
AACGATACTTGATCCTTGATGTTGGGTCGACTGTGGAGGCGGTTTGTGCAACAAGACGTCACCGTTGACATAC  
AAATGTAATTGCTTGGAGGGTTACTATAATCTTCTCAACATCACTGCCTTCCATGCTACAAAGATTGCTCTATA  
GGAACGGATTGCAAGGAACTGGGAATTCCAGTAACAACTCACCTGCTTCTACAATTCTACTTCAACTACAA  
ATAACAATGCTGCTAGCGGATTATTTCTCAAGCGAGGCTCCCTCTCGACGATTAGCTCGGTGGTAATGTACATC  
GCTACACTGCTTCTTCTGATTAAATAGACCAACATGTGTGGTGCCAGTGTGTTTGATTGTGTATGCCCTCTATT

TATGGCTTTGGCAATAAAATAAGTTTCCCATTTGAGTTGTGCGATGATGGGCATTGTATATATGTTACGATCTC  
ACATAAAAACT

>trans\_c\_2888 NM\_001053168|Oryza sativa Japonica Group Os02g0304900 (Os02g0304900)  
mRNA, complete cds

TGGAAAGGTGAGGCAGAGCCATCTGTGTGTTGGTTAGTTTTTTTACAGAAACGCCTTTCTTTCGTTAACTTCAA  
ACTTCAAAATCTAATCTCAGGAAAAGGTCAAATCAATTCCACCCTTCCAATTCTTCTTTCTTTCTTTCTTTCT  
TTCTTTCTTCTTTTTTTTTTCCAATCAATCATTCTTTCATTTTTTCATCCCCAACCATACCCTATTTCGGGCCCTTTT  
TTTTCTGTCTTTCTTTATCTCCATTTCTCACCTCCCAATCCTGTAGTTTCTTGCTTTCGGCTACTCGGCAACCCC  
TTCTGCTCTTCTCTTCTTCTTGTCTTATTTTTTCATCCATTTTTTTCGGAGCTCTCTCTCTGAAAAATGGATT  
CGATTTCTGGACTTCTCGTCTTGCCGCTGCTAAACGCCAGTATATGTTGCAGCATCATCACCAGCTTCCAACCT  
AGATCTGTTGGGAATCGATGATTTGGAGATGGATGATGATGCCCGTCCCCATTTCCCTGCCCTTTTGTATG  
AGAATTTTGACGTTATGTCCCTTTGTTGCGATCTGGAAGACGAACACTCTTGCGAGACAAGAGTCCCGGTTTGC  
CCCATATGCTCAGTTAAAGTCATGGGGGACATGTTAAGTCATATAACGTTGCACCATGGGCACCTGTACAAGC  
TTCAGAGGCGTCGCAGGTTGCGTAAGATTCCATCCCCAACAGTCAAGCATTGTCCCTCTTGAGCCGGGACCTT  
CGCGAGGCTCATCTGCAGGTTCTTTAGGGAGCAGTGGGTACCGTACAAGCACTAACGTGCCTAGTGCAA  
CTCAGGATCCGTTTTATCATCACTTATTTTAAATTTATCTGCATCTGATGTTGAAGATATCTCAAATCCATGCT

>trans\_c\_2889 NM\_001069631|Oryza sativa Japonica Group Os09g0394900 (Os09g0394900)  
mRNA, complete cds

ATCATCGTCAATCGCCGATGATTCATTCTTCGTTTATATATAATCTATATCTATCGCTCATCTTAACTTTCACTTC  
AAATTTTTCTCTCATTTTTCTTCTTCTCCAATGTCTTCCTTAACCATTCCTCCTTCTTACTTCCCCCTCGAGACG  
ATGCTACCCTACTTTACCGCGCCTTCAAAGGTTTTGGATGTGATACTGCTGCAGTTATCAGTGTTCTTGACATA  
GAGATGCAGCACAACGTGCTCTCATTACAGCAGGAATATAGAGCCATGTACTCTGAGGAACTACCAAACGCTT  
GAAATCTGAGCTCAGTGGCAAACCTTGAGGATGCAATTTTACTATGGATGTATGATCCAGCAACCAGAGATGCT  
ATTCTAGTGAAGAATGCTATATATGGAGAAACCTCTACTCTTAGAGCTGCCACTGAAAGTAATTTGTTCTCGCAC  
ACCGTCGCAGATTACAGCATTTTAAACAAATTTACTTGACCATTTTTCTGTTCTCCCTTGAACGCGATATTGAACG  
CACTGCGACCGGTGATCATCAAAGTTGCTATTGGCTTACATTAGTAAACCGCGATATGAAGGCCTAGAAGTC  
GACAGAGCTCTGGTAGATAAAGATGCCAAAGCTCTCTATAAAGCTGGAGAGAAAAGATTGGGAACTGATGAA  
GATAAGTTCATAAAGATTTTCAGTGAAAGAAGTAGGGCACATCTTCCGCCGTTAGTCATGCTTATAAACATTC  
ATATGGACACTCTTTGAAAGAGGCTATAAAGAAAGAAACATCTGGGAATTTTGAGCATGGCCTTCTCACCATT  
TTGCTGTGTGCTGAGAATCCTGGGTTTTACTTTGCAAAGGTATTGCGCAGGGCAAATGAAAGAATGGGAACA  
GACGACTCCACT

>trans\_c\_2890 AJ313385|Theobroma cacao mRNA for aspartic proteinase (ap2 gene)

ATCTGAGGCAGATCCGAAGAAGATCTGTTCTCAAATTAAGTTGTGTACTTTTGATGGAACTCAAGGAGTAAGT  
ATGGGAATCGAGAGTGTTGTAGATGAAAATGCCGGTAAATCATCTGATGGTCTAAGAGATGGCATGTGCTCT  
GTATGTGAGATGACAGCTGTTTGATGCAAAATCAATTCGTCAGAATCAAACCAAAGAACGCATTATAAACT  
ATATCAACGAGCTATGTGATCGTATGCCTAGTCCAATGGGACAATCAGCTGTGGACTGTGGAAAACCTTCTTC  
CATGCCTAGTGTTTCTTACCATTTGGTGACAAAGTTTTTGACCTTGCCCCAGAAGAGTATATTCTCAAGGTGG  
GTGAGGGTGTTGCAGCTCAGTGCATCAGTGGATTACAGCCTTGATATTCCTCCTCGTGGACCTCTCTGG  
ATCTTGGGAGATGTCTTCATGGGCCGCTACCATACTGTCTTTGATTTTGCAAGCTTAGAGTCGGATTTGCTGA  
GGCAGCTTGAAGAAACCACTTGTTTGTTGGTGACTTTGTCGATTGCCTTCAATGTTTATACACATGAGCCATCT  
TTAGTTTCAATGGAACCTAACTTTACTTTATTTTCGTGGATTATCTAAGTGTTAAATGCGGTTAGCCTCCCTGC

AAAAGGGAAACACTCGTGATTGTAAATGCTTGGCTACTGTTTCATCTTTTATAGACACTGCTTGACAGTTGCT  
TTTAGTTTCTCTGCTGATTAAATATATACACACAGGCTGTTATATATTTGGAGATGGAAATAGAGAACAAATT  
AATCAAATAATATATTTAAGTTTATCTCGATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2891 AF096249|Lycopersicon esculentum ethylene-responsive small GTP-binding protein  
(ER43) mRNA, complete cds

GTCTCGGTGCAGTCGATCGGTCCCAATCGGCCAATCTCCGCGCGAAATCATAGAATCTGTTTTTCATTTCTCTCT  
GCGTTTCGATGTCGCCGACGACTTCCTAAGCTTCGTTAAGGGAAATCAAATTTTCGTTTTAATACTGGAAACCG  
ATGGCTGCACCACCGCAAGGGCTCGTGCTGATTACGATTATCTCATTAAGCTTTTGCTTATTGGCGATAGCG  
GTGTGGGCAAGAGTTGTCTGCTTCTACGTTTTCTGATGGTTCTTTCACAACCAAGTTTTATCACCCTATTGGTA  
TTGATTTTAAGATAAGAACCATTGAACTTGATGGGAAGAGAATCAAATTGCAAATCTGGGATACCGCTGGTCA  
GGAGCGTTTCCGAACATCACAACGGCTTACTATCGAGGAGCCATGGGAATTTTGCTGGTCTATGATGTCACT  
GACGAGTCATCTTCAACAACATTAGGAATTGGATCCGCAATATTGAACAGCATGCATCTGATAATGTGAACA  
AGATACTCGTAGGAAACAAGGCTGATATGGATGAAAGTAAAAGGGCTGTGCCTACTTCTAAAGGTCAAGCTC  
TTGCTGATGAATATGGAATCAAATCTTTGAAACTAGTGCAAAGACAAACCTGAATGTCGAGGAGGTTTTCTTT  
TCAATTGCCAGGGACATTAAGCAAAGGCTCGCCGACACTGATTGAAGGCAGAGCCTCAAACAATCAAATA  
AACAAGCCAGATGCCGAGCCGGGGATGGTCAAGCTGCCCAAAAGTCAGCTTGCTGTGGCTCATAAAATGGT  
AGAAGAAAATCAAACCGATTGAAAGAGCGAAAAAAGATAAACGCTCTTCATATTGCAGTGGTGTCTTCTGGG  
GATGNATCAAAGCCTGGTGAGA

>trans\_c\_2892 NM\_001123947|Arabidopsis thaliana CPuORF19 (Conserved peptide upstream open  
reading frame 19) (CPuORF19) mRNA, complete cds

CCCATCGGCTTCTTCGTCACCGCGAAAAACAAGAGCCAAAGACTCTCAGGATCAGTTTTTTTTCTCCTATCACGA  
CCATTCATCACTGTAAGGAAGTTGGCCATTCGGTCTGCTGTTCTGTAGTTCAAAGTGGAGGGCGTTACGTTTG  
AAACTCCTTTTATGTCTGAACGGGCCTCTCTTTTTGTTCATCGATTGGATTGCTTGGAGAGTATTGTCTACGT  
CTAGGAAAAAGATCAGTTGTGCTGAGACTATTGGCTGCACGCATCTTGAGTTGCTAGGAGTTCATAGAAAAGC  
ACGTGGTCTTGGTTTCCATTTTATGCGGTCTTCCAGCTGCTCAAAGAGCATCAGGACTTTTTGAAGATACTG  
CTACTTCTACCTATCTTTCTAACTAGAACTTGCAGTATTTCTGTATTTTAACAACATGGCGTTGCAGAATATTG  
GTGCCTCGAACCGCGATGATGCCTTCTATAGGTATAAAATGCCTAAGATGGTTACTAAAATTGAAGGTAGAGG  
TAATGGCATCAAGACTAATGTAGTTAACATGGTGGAAATTGCAAAGGCCTTGGGCAGACCTGCCTCCTACACT  
ACCAAGTACTTTGGATGCGAACTTGGTGCACAATCCAAGTTCGATGAGAAAATGGAACCTTCTTTGTAAATG  
GTGCACATGAGACTGCAAAGCTGGCTAGTCTTCTTGAAGTTCATCAAGAAATATGTTCAATGCTATGGATG  
TGGCAACCCTGAGACTGAGATAATCATCACGAAGACGCAGATGATCACTATGAAATGTGCTGCCTGTGGATTG  
ATATCTGATGTCGACATGAGAGATAAACTCACAACATTTATTCTCAAGAACCCACCTGAACAGAAGAAGGGAT  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2893 XM\_002893965|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F27F5.25, mRNA

AAAAATATTGTTTGGCATCGAGACAGGGTTAGACCTCGCTTATCTCCTTCCCCAATGAAGGCAACTTTGAAGAC  
CAAGTACGACGCTGACAAAAGCGGCGCCGCCTCTACTTTGGCTGTTAACGCCGGTGATGTCAAGCTTCGAGCA  
TCCATTACCGATGCCACAATCATCAACGGTCTAGTTTGAACGGCCTTGCTCTTCCGTCGAGAAACCAGGCTT  
CTTCATAGTCGACTACAATGTCCCCAAAAAGGACCTTCGCTTTCAGTTTATGAATACTGTGAAGGTAGCGGAG  
AAGCCTTTGAATTTGACTTACATCCATAGTTGGGCGGATAACAGAACAATTCTCGACGGGACTCTAGTCTTTGA  
TTCGGCTAACAAGGTTTCTGCTAATCATACTCTTGGGTCAGGAAATTGTAAATTGAAGTACACCTACGTGCACG



AGGGGGCGACTACTTTTGAACCTTCTTACGATGTTGCAAAGAATTCGTGGGACTTTGCTGTTTCAAGGAAGGT  
TTATGGTGATGATGTATTCAAGGCTACGTACCAGACGACATCTAAGGTACTGGGATTAGAATGGACAAGGAA  
TTTGAAGTCAAGCGGAAATTTCAAGGTTGTAGCATCGGTCAATATGGCAGATGAATCGAAAAGGCCAAAAGT  
AACTGCAGAATCGACATGGAACCTTGAAGTGTAATTTTTAAATCAATCTTCCTTTAAATCCCGTTGTGATTTA  
TTGTGGAGTTTCTGAATACATTTTGATGATTGAATCTGAAAATACTTTGTGCACTGAAAGTTAAATACACCT  
CAATAATCATAAGAAGCAGTTCTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2894 NM\_001061462 | *Oryza sativa* Japonica Group Os05g0214400 (Os05g0214400)  
mRNA, complete cds

TGAAATGAGAAATGAATATGAACATTTTCTTTTGGTCATCGTTCTGAGTTTGGCGCCAAAGTTAGCTCTGTTCC  
TTGGGTTTCATCATTAGGGTTTCGTTGATTTGATAAAGGATTAGGTTTCATCAATGGCTTCCTCACCTCCTTCTA  
AACGCCGTCGTAAAAGCCTCGCTATTGATGACGCTTTTGAGACCTTACTTGCCACTTCTTCCTCTGTTAATCGAT  
TGTCCCCTGTCGTGGTTTTCGCTCACGGTGCTGGCGCCCCTTCTTCTTCTGAATGGATGATCAGATGGAAGGAT  
ATGTTAGGCAAGGCACTGCATGCCGTTGAAGTTGTCACTTTTGATTATCCATATATTTCTGGCGGAAGGAAATC  
TCCTCCCAAGGCAGAAAAATTGGTTCCATATCATGTAGAAATTGTCAAGAGGACAACCTGCAAAGTACCCTGGC  
CACCTTTTGATTTTGGCGGGTAAATCAATGGGTTTCGAGAGTAAGTTGCATGGTTGCTTGAGGAAGACATTC  
ATGCTTCAGCAATTATTTGCTTGGGGTATCCCTTGAAGGGCTTGAAAGGGGATGTCCGAGACCAGACGCTGTT  
GCAAGTTATGGTCCCATCATGTTTGACAGGGTAGCAGGGATGCTCTGTGTCCTCTAGAGAACTGGAGGAT  
ATTCGGAAGAGGATGAAATCAATCAGTGGTTTACATGTTATTGATGGTGGTGACCATTCTTTTCAGATTTCAA  
GAAATATCTTCAGGGCAAAGGTTCAAGTAAAGACGAAGCCGAAAATCTTGCTGCTCAGGCCCTTGCTACTTTT  
GTTGCTGGGTTTCTTGATGGCTTAACTAAACCCTTCTTCTTGTACAAATGTGTGTTTTAGAGGTTGAATTTGT  
ACATAAATGGTCGT

>trans\_c\_2895 DQ444282 | *Gossypium hirsutum* suppressor of K<sup>+</sup> transport growth defect-like  
protein (SKD1) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAACTACTAAGCAAACACCATTCGTTATTTCAATTCTTGTAACATTTTATAC  
ACAAATTGGAGGCATCAAATATAAGAAAGGTCAGATTTCAATGTTTCTGCTCAATACAAAATGTTTCATATTTGC  
TTCTCCTTCAATGGACAATTGAAAAATATATAAATTTGTTGAAGCTGGAACAAATAAAATACAACCTCTGATGGG  
TTGTATGCAACAGTGATGATTGAGATAAGACTCGATAAACTATAACACACTCACTCCTCAACCTTCCTCCCA  
AACTCTTTTGTAACCTTTCACGAATTTCCAGATCAGATTTACTCACCGTAGGCCTTTGTCTAGCCAAGACCTTG  
TCAAAATCTGTTCTTGTAATTGGTGGAGGAAGAATCTTTGAGGCAAGTCCTTTGGCTGCCAACTCTTGCATGCT  
AATTTGGACAGCGCCTTGTTGCTTTGGTCCACAAGGTACCCACATAACATCAGGAGTCTTAATGAAGAACATA  
GCATCTTGAGTTTTACGTACAGGTTTGAAGAGCACATCCTTCACACAACTGAAATATCTGAACCCGAGAAAC  
CATCTGTCCTGCGTGCTAAGTTTTCAAATCTGCTTCTGTAAATTATGTGGTGTATCCCCAGATGCACCTATT  
TAAATACATCTAGGATAATTAGCAAAGTTCATGGAGACGACAGCAAAAAAAAAAACTTGCTTTTATTGGAGAA  
AATAAAATAGAATTCTCAGAACTTTGAACATATGCTGTCTGGCTTTCAAATCAGGTAGAGGAATGTATATTCGC  
TTGTCGAATCGTCGACGAATGGCCTGTAAACCACACTTATCAGTCAGATATGCATTAACTTCTGTAATCCTTT  
ACATGATAT

>trans\_c\_2896 AB024509 | *Nicotiana tabacum* mRNA, complete cds, 2174 bp sequence

AAGAAAACGAGATTTAAAGCAGAATTTACAAGCGAGTCGAATAGCGAGAAGAACCGAATTCAATTCTGGTCT  
TCTAGTTCAGAGCTTCACTTAAAGCCATGGAGAACAGTGCTCACAGGCGGATCAATTTGATTCATCGTCACCTT  
CATTACCGCCATGTGACTTCATCAACCCTCTTAATCTGGCACAAACGAATGGTGGGAACCAATTGCAAACCTG

GGGTAGCAGAGCCTGTGATTGTTGGAAGTATGGTGCTGGATATTCACGCCATACCCTCCTTTCCGCCGTTTCCT  
AGGTCAACCACTCCGGGCAAGATCAACTATATATTAGGAGGTGTAGCACGGAATGTTGCTGAATGTATGTCAA  
AGCTTGGGGCCAACCTTTCCTGATTAGTGTGGTAGGACATGACATGGCAGGGAATCTCTTGTTTGAGAAATTG  
GAGATTGGCTGGGCTATCAACAGAAGGCATTTCGGAAGCACAAAGATATCAGCACTGCTGTTGTGTGTGCCGT  
AGTTGATTTCCATGGAGAATTGGCAGCTGCTGTGGCAAGTGTGGAAGCTATTGAAAAGTTTCTCACACCTGAA  
TGGATTGAGCAATTCAAGTGCAATATTCGAGATGCACCAAGTGCTTATGGTTGATGCAAATCTAAATTCGCTTGC  
TCTGGAAGTCTCTTGCCAAATGGCTGCCGAGTATAATACTCCNAGTGTGGTTTGAGCCTGTGTGAGTTGCTAA  
ATCAAGAAGGATTGCTTCAGTTGTCAAGTATATAAGTTTTACTTCACCTAATGAAGATGAACTGATCGCCATGG  
CCAATGCATTATCTGGTCAAGATTTGTTTTCTCCATCAAACAAGACAACAGCATTACAATTGAATCTTTCTTTG  
ACAATTTGAATCTGCTGTA

>trans\_c\_2897 NM\_104455|Arabidopsis thaliana ATP binding / nucleotide binding / phenylalanine-  
tRNA ligase (AT1G55790) mRNA, complete cds

AGACAAACTCTTGACCCTCATTGACTTCATCATCTTCCCAAATCCATTGATTTCAAGAGAATTCATAATTTAAT  
CCCCAATCGCAGTTCTCGATTTCAAAACGTGATTCAAATTTTAGTTTTACCAAACCCATCGCCGATGGAATTTG  
TGCCGGAAAACGAGAGAACAGAATCGTCCGATGAAGACGAAGATGAAGAAGAAGAAGAAATATGGAG  
GAAACACTACTCGTCCAGACACCGAATATTACTCGTAGGAGAAGGCGATTTTTCTTTGCACTGTGTTTGCCAA  
AACACTTCGGATCCGCTCGCAACATCGTAGCTACTTGTCTCGATTCTCAGGATGACCTAGAAAAGAAATACAG  
CGACGGAATTAGGAACGTGAGGGAAGTAGAAGAAAGAGGATGTTTGATATTCTACGGAATCGACGTGCGAA  
ATATGAGTACACATTTCTTCTTAGAACTCAGAGATTTCGATCGCATCGTCTACAATTTCCCTCACGTCGGGTTCC  
TGTAACGCGAGGACAGTTTCTGCCAAATTCATTGAACAAGGAATTGGTGGAAGGGTTTCTGAGGAACGCTA  
AGGTTTTATTGAAGAAATTAGATGGGGAAATTCATGTATCGCACAAGGAAGGGGAACCGTACAACAAATGGG  
AGCTGGTGGAGGAAGCCATGAAAGTGGGGTTGAAGCTGGAGGAAACGGTGCCGTTTACAAGAAGGATTAT  
CCGGGATATCAAACAAGAGAGCCGATGGAGGTCATTCCAATGCTCCGTTTTGGCTTGGCGATTGCAGTACTT  
ACAAGTTTAAGCTTAATCACTCTGGCTGAGATGGCCATGGCCATGGCCATCGCCATCGCCATGCCGATCGATN  
CACCACACACTAATTCAAGATGAAAT

>trans\_c\_2898 Novel Gene

ATTGCCTTCGAGAGAACAGAGCATCGATATGAAGATGGTGTTACTGTTCCGTTGCGGGCATACAACAAATGG  
ATTCCTTTCTCTACTTCTTTCGATCTGTAAGCTTGATTCTTCGTCAAGCAATTTTCAGTTCCGATGAGGAAGGAT  
TTTTCTACATTCGTCTCTTTTTTTTTTTCCCTTTTTCTTTTGTAAGTCTCTTCTTCTACTTCTTCTTCAAGGCCGAT  
CCAATGGGTTCTCGGACGTGTAAATCACTCGAGTACTCAATTTACCCGCGCGATATTTTTTGGGGCAGCCTC  
AAGGTTTTGCATGGTTCTCATTCTGCTCAAATTCAGGGAACCGCCCTAAATCTTCTTTTGTTCATTTATTC  
ATTCGTTTTCCCTCTTCTGCGATAGTTAGATTGTGTAAGTCTGTTTATTTAGGGATGTTTTGATAAACGACG  
TTGACTACTCGCCTAGGGTTTTCTTTTAGCGGAATTGTTTGTGTTGAACGAAATTCAAAGGAATTGGGGGTTAT  
TGCGATGAATCCTTTTAACCGGTGGAGATTCTTGTTACGGCTGCGTTTGATTGATTGACCTGATCTCAGTCG  
GTCCTTTGAGTTTGTCTCATTGGATATGTTTTAATTCTCTGAATAAGTATCTATCTTTCTTAAGTAGTCAATAC  
ATTAATGGGTCATTTTCTGGATGAACTTGTTAATGTGTTTGTCCCCTATTTTCTATCAACATTTTTCAAGAATTT  
GAGACAGGCGTTTCACGAAGTTGGGTGCTAGTTTTTGATAGCTTCACGAACTTTTTATCTTCAAGTCAAGGAT  
GAAGATGTTTTTGATATATCTGTGAATTGAATGGTTTGATTTAGGATATGAAATGTTTATGTAGATCTCCAACA  
TT

>trans\_c\_2899 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

GATGCGGATTGAGACGAATAACTATAGAAAATTCTATTAGTATATTTTAATCTATTTAAAGGGTTTGTGATATC  
TGATCGATAGAAATATAATATTGTTATATTGGGATTGTATCATCCAGAAAGAGGGAATCGAGTGATTCTCTCTT  
TCTTTTTTTCGCTTTGAAATGAAAGTATCGACCGATACGATCGCGAAAGAGATTGTCTGAATCAATTTTTTTTTT  
GAAGCAATTCAGAATCAGAAAGAAATGAAGTTTTTTGAAAAAATAGGAAAGATCCATTTTTTCATTTATATG  
AATAAATTAGTCTAATTCTAATTAGTAAGAGCTCAACGGGACCTACCAGGAGAGGGTCTCTGATTTGAGGGG  
GATCCTGTTGAGTTCTTACGCTTTTATGTCTCCAACCTCAGTTCATCCGATTATTACAGAGATGAACCTAAGCCG  
GAATATGAACCATAAAAGAAAATACCAACTAAACCGATCACAAGAATACCAGTTACAGTACCGATTATCCAAA  
GAGGAATCCTTCCAGTAGTCTCGGCCATTTGTCCACTTCCCTCCCCATTTATCAAGTGGTCGTGCTAGAGAC  
AGAAACAGTCATAGATAATTATGAGATGATATCCTTCCGAATGGGATAAGATAATTCGTAATATTATTTAGTAT  
TTTCTTTTATTTAATTGAAGAAATAATTGGAAAATAAAACAGCAAGTACAAAAATGAGTAATAACCCCCAGTAA  
AGACTGGTACGATTCAATTCACATTTTGTTCGTTTCGATTGATTGTGTATAGCTCTATAATTCGATTAGGT  
TTATCGTTGGATGAATTGCATTGCTGATATTGACCCTAAAAAAAACGGTAGGTACAGCTAGTCCGTGAACA  
GTTAACCATCGCACT

>trans\_c\_2900 HM126477|Hevea brasiliensis actin-depolymerizing factor (ADF) mRNA, complete  
cds

TACATTTTCTTCCCTCATTTCTTCTTCTTCTTCTCGTCGGAACCTCTTATTTCTTCTCTCAAAATGGCCAATGCAG  
CATCGGGAATGGCAGTGGATGAGGATTGCAAGCTGAAGTTTTTGGAACTCAAGGCAAAAAGAACCTATCGCT  
TTATTGTGTTTAAGATCGAGGAGAAGCAAAAGCAAGTTGTAGTGGAGAAAGTCGGTGAGCCAACACAAAAGTT  
ATGAGGACTTTGCTAAAAGCCTCCCTTCAGACGAATGTGCATATGCTATCTACGATTTTCGACTTCGTCACGGAA  
GAGAACTGTCAAAAGAGCAGAATCTTCTTTATTGCCTGGTCCCCTGATTCTTCAAGAGTCAGAAGCAAGATGA  
TATATGCAAGCTCCAAAGATAGATTCAAAAGAGAGCTGGATGGCTTTCAGGTTGAGCTCCAAGCCACCGATCC  
AACCGAAATGGGTCTTGATGTGATTGCAAGCCGAGTTGGCTGACCCTTATACTATGATTGCAACATTTAACATC  
CAATTCGGATAAAATACTATCCAATTTCTTTTACATCTTCTTTTCAAGGTGAACGAGTGTCTTGGTCCTGGCTT  
TGTGGTATATAATGTGTTTTGGATTTATGTTCTGATACGCCTCTTAGTTGTTTGACAACAACCTATACTATATAA  
TTTTACCCTTCAGGGGGAGATATTGGAGCAGGATGGCTTTGAGATTGAGCTATGCTGTTCTGCTTCCACTCCAT  
AGATTGATATACAAGAGGAGTGAACATTTGTATTTGAGCAACTATTGATGTAATTTTTCTGTGTTCTTTTAGAC  
TTTAAAAAGGTATTATTTGATTGGTAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2901 AF148534|Lycopersicon esculentum whitefly-induced gp91-phox (Wfi1) mRNA,  
complete cds

ATTCCCATTTCATCTTTATTTATAATCTTCTTCTTCTACTTCCCACATTCTCAATTCTCTCCGTTCTTCACCAAATTA  
TGAGACCCACGAACCTTATTCCGGCAACAATTCCGACGCCGAGAGCGTCAGTAGCGTCAGAAGGGGTGACC  
GGAGAGCTTTCAGCGGTCCAATTTCTTCTTCCAATACCAAGCCTAGGAAGAATGCTAAATTCGACCTCTCTTCT  
TCTTCTTCTCCCTCAAAGCCGCCGATGAAGACGACACCTATGTTGAAATCACCTCGATATCCGTGACGACTC  
TGTCGCCGCCATAGCGGCCATACCGCCAGGGCCAGACAGGATCCAAACACTCTTGAAGACCCTGAACCTTCT  
CTTCTAGCTAAAAAACTCTCGAGAAGAAATCTTCTTCTTCCGAGCCTCAGGACTTCGATCCACTTCTTCCCGT  
ATCAACAGGTCTCTCAAGAGCTTAAACGCTTACGTCACTTAACCGCCGCACCTCCACTCGCCGATTGACCG  
GACTAAATCTGCTGCCACCCATGCTCTCAAGGGTATGAAGTTTATTACTGCCAAAACCGGTGGATCCTCTGCCG  
GTTGGGGTCCGTTGAGAAGCGGTTTCGATGAACCTACTACCTTACCAACGGAATCCTCCCTTCTTCTTCTT  
GGACAGTGCATTGGTAGTTGCTCGTTAATTCATTCTAAAAACAGAGCTCTAGATTTACTCTGTTTCTTATATT  
GGTTCTTTTCCGTTTTAGGAATGAACAAAGAATCGAAAGATTTCCGCCGTGAGCTTTTCCGTGCACTTGCTCGT

AGGCGTAACATTACTGGTGATTCCATCAACAAAGCTCAACTTAAAGAGTTCTGGGATCAGATTTCCGACGACA  
CGAAGTATTC

>trans\_c\_2902 DQ191627|Solanum tuberosum 26S proteasome AAA-ATPase subunit RPT4a-like  
protein mRNA, complete cds

AAAAAAAAATTATTTTTGCAGAAAGAGAGAGCATCTAAAGCTTCTTGCTTCCCAAGCTTTCTCTGACTAATCCAT  
CGGAACTTCCACCTCCGACCACCAAGAATGGCTGACAGTGAAGATGCTGCCGTCGTCACACTGCGGTCAATG  
ATTACCGCAAGAACTCCTTCAGCACAAAGAGTTAGATGCCAGAGTCCGATCTCTGAGGGAGAATTTGCGAG  
CTGCAAAGAAGGAGTTTAACAAAACGGAACATGATTTGAAGTCTCTGCACAGTGTTGGTCAGATTATTGGAG  
AAGTTCTCAGGCCACTTGACAATGAACGCTTGATTGTCAAAGCAAGCACTGGACCTCGGTATGTGGTTGGATG  
CCGCAATAAAGTTGATAAGGAAAAATTAACATCTGGTACTAGAGTAGTTCTTGATATGACAACACTCACCATT  
ACGAGGGCTCTTCCACGTGAAGTAAATCCTGTTGTGTATAATATGTTGCACAAAGATCCTGGTAATGTTAGCTA  
TTCAGCTGTGGGTGGCTTATCTGATCAAATTACAGAACTGAGGGAGTCCATTGAGTTACCTCTAATGAATCCTG  
AGCTTTTTCTTACGTTGGCATCAACCCCCCAAGGGTGTGCTTCTGTATGGCCCTCCTGGTACTGGCAAGACA  
TTGTTAGCAAGAGCCATTGCAAGCAACATAGATGCCAACTTCTTAAAGGTTGTATCAAGTGCCATAATTGATA  
AGTACATTGGAGAAAGTGCGAGGTTAATACGAGAAATGTTTGGATATGCACGTGATCACCAGCCCTGCATCAT  
TTTTATGGATGAGATTGATGCCATTGGTGGGAGGAGATTCAGTGAGGGAACAAGTGCTGATCGTGAAATCAG  
CGAACATTGATGGAGTTACTTAA

>trans\_c\_2903 NM\_001036464|Arabidopsis thaliana emb1067 (embryo defective 1067); tRNA 2'-  
phosphotransferase/ transferase, transferring phosphorus-containing groups (emb1067) mRNA,  
complete cds

AGTTACCAACTGCGGCATCAAAATTCTGCGCTGCCGTTCCCTTTTGCTTCCACGTGTCCTCATCACTCCAATTCC  
ACTTCCCATCTCTCCCTCTCTACTCTCCATGGATAGGAGCAATACCACATCCTCTTCTTCTTTGCCATTCCAGC  
AAAAGTGGTGGAAGAGGAAGAGGTTTGGATTTGAGGAATGATAGAGAAAGAACGAGAGACCGTGGTGGAG  
GAGGCGGTGGCTCTGGTAAAGATAAAATTGACGCTCTTGGTAGACTCTTGACACGAATCTTGCCTCACATGGC  
TTCTGAGTTAACTTGAATATGAGGAACGATGGATATGTCAAGGTTGAGGATTTGCTAAAGTTGAACTTGAAA  
ACATTTGCTAATATTCCACTGAGATCGCACACAATTGATGACATAAGGGAGGCTGTTAGGAAGGATAATAAGC  
AGCGTTTCAGCTCCTGGATGAGAATGGAGAGCTCTTAATTCGAGCAAACCAAGGCCATACAGTCACGGCGG  
TTGAAACAGAAAGCTTATTAACCAATTCTTTCGGCTGAGGAGGTGCCAGTATGTGTCCATGGCACTTATAA  
GAAGAATTTGGAATCAATTCTGGATTCTGGTTTAAACGCACGAAAAGATTGCATGTTCACTTCTCATGTGGTT  
TGCCAACAGATGGGGAGGTTATCAGTGGTATGAGACGAGATGTCAATGTTTAACTTTCTTGATGTCCAAAA  
AGCTCTTGAAGATGGAATGAAGCTTTACATTTCCGACAATCGGGTCATTCTGACTGAAGGTTTCGATGGCATG  
GTGCCAATAAAATACTTCAAAAAGATTGAGTCATGGCCGAATCGACAACCTATTTCTTTTGTAGCCTGGAGC  
AACGATACATGATCATGAATT

>trans\_c\_2904 EF611045|Hevea brasiliensis ethphon-induced protein (Etle) mRNA, complete cds

TCCCCCGGCTTCCCATTTCTCTCACCTTCTTCACTAAATCCTTTGCCCTAAACCTTAAGCTCCCAAATTCTTTCT  
CACTTCCGCCAATTTTACCATGAGAACTGCTCCCCTATTCTACGCCGGCTGTTCCGATTACCTTCTCCACGAG  
CCTCACTTCTCTGAGGCATGTTCCCTTTGCCGAAAGCTCTCGACGCAACTCCGATATCTTCATGTACAGAGG  
AAACTCCGTTTTGTAGTAAAGAGTGCCGGCAAGAACAGATTGAAATCGATGAGGCGAAGGAAAAAAGTTG  
GAGGCGTGCTTCATCTTCGTCATCGTCTTCTTCTTCTTCTTCTAAGAGCAGTCAAAGTCACAGAAAAACAAGA  
AGCTAACAAAGAAACTGTACGGTCCGGCACCGTTGCGGTGGCCTGAGATCTTCAAATTGGAACAAGGCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAGAAAATTTCAATTTAGAGAGAGAGAAACACTTCCCCAATTT

GGAAAAAAAAAAGAATTGTGGAGTTTAGTGGATACTCATAATGAAATTTCCATCAACAGCTCAAGGACTTGAT  
TTTCGAACAACCAAAAAAGAAAAGTTAAGTTAATAACTTTTAGATCAATACATGTGTATAAAGAAAAAAGGAAA  
AAGGGAAAGCATCTTTGATTCTTGAGCTGAAATTGGTGTGTTTTGGTAGTTCATTTTGGAAAAATAAGGAAAA  
AAAAAAAAAAAACTCAAATATTTAAAAGAGAACTTTTATTTTATCTTTTGCTCCTTAATTTTGGTGGTTGAGAAT  
AAATTGTTGAAGATCGATAAATTGAATATTTTAAACAATGAGTAATATTCGTTATAGAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2905 NM\_124555|Arabidopsis thaliana AHG1 (ABA-hypersensitive germination 1);  
catalytic/ protein serine/threonine phosphatase (AHG1) mRNA, complete cds

TGGAGGACGGGTGATTTTCGTAAATGGAGCCCGTGTTCAAGGAATCCTTGCAATGTCCCGTGCGATAGGGGA  
CAAATATCTCAAGTCAGTTGTAATATCGGAACCTGAAGTTACTTTCACCAAAGAGAATCAGAGGATGAATGT  
CTAATACTTGCTAGCGATGGTCTGTGGGATGTTCTTCAAGTGAGTTGGTTGTGAGGTAGCTCGTGAATGTCT  
CCAAGGAGTGGCAGCTACTACTACTACAATAGACCTCAATGCTGTGCCTCAAATTGAAGAAGAAGGGGCTGG  
AACTTCTTATCCTTCTCGAAGTGCGTTGGCTGCTGCATTGTTAACTCGTCTTGCCTTAGGGCGGAAAAGTACAG  
ACAACATCAGTGTGTCATGGTTATTGATCTAAAGAGGAGCTGAGGAAACAAAAGAAAACAGAAGTTAAGGTTTG  
ACCGTGCGAACGTTGCACAACCTGTTCTGAACTGGAGGAGGCATGATTCATTAATGTATGCCCTCGTAGGT  
GAGAATTTATTTTTCTAATGTGTAGGTTTTCGATTGAATTTATTAGTTGAAAAGTTGTGTTGTAGAGTCTGATG  
AGAGGATGTTTTGGTATTTTATGTCATCATGAAGCACAAAAGAACTGATGATTGGAAAATTGTGTCCATGTA  
ATCCAACATTCTCCAGCCACATGATGTTGTTGAGGAGCTTTTATGGTGGATACAAGCACGGTCTTACATGCTA  
GAAAGATGAAGCTTTTCTCTTTTGTCTGTGAATTAATTGGACAACATTTAGTTAATGTATCATTACAAGTTT  
GTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2906 NM\_127816|Arabidopsis thaliana UCP5 (UNCOUPLING PROTEIN 5); binding (UCP5)  
mRNA, complete cds

CACGCCACCGCCGCCACAAACCCCTCCGCGAAACTCGCCGTCACGTGGGTCCCCAGTCCGTCCTTCATCACTCC  
CTTTTCCAATATCGTCAAATCAACTTCTCTCTCACATTTTTCTTAGTTTCCTCTCTCAAACTCATCTCACTTC  
ATCTTTTTTGTCTTTGTTTTTAAATTCTCTCCTTTTTCCCAAATGGCCACCATTGAGGTTGAATCAGCCCCAG  
TAGTATTGCCAGAGCCTGAGGCAGCTCCAGCAGTCCAACCTGAGGAGAAAAGTTGTAGAAGAGCCAGTGGCTG  
AAGAAACCCAGCTCAAGAACAAAAGGAGGAAGCTGCCCTGAACCTGTGGAGGAGGTAGAGAAACCGGCA  
CCCGTTGAACTGAACCGGTAGTCGAAACCAAGGAAGAAGTTGTGGAAGAGAAGGAGAGCAAGCCAGAGG  
AGGCAGAGCCTGCAGCCGAACCCGAAGCACCGGCGGAGGCGGAGGCTGAAGAGAAGGAGGAAGAGACCAA  
AGAGGAGGCAGTTGAGGAGAAAGCAGAAGAAGAGGCTAAGGAAGTGAAAAGTGAAGAAGTTGTTGAAGAG  
AGCTCAGAAGCTGCAGCACCAGCTGAAGAAGAGAAGCCAAAAGCAGAGGAATAAAGAGAGAAAGTTTAAAA  
TGTTAAAAGTTGGTTGGGGGAGTTAGTTTTTCTTATGTTGTTTGGGTCTATGGATTGAGGCAAAGTCATATGA  
GAGTTGGGAGTTAAATGGCTATCTATGTATTTTCGTAGTGGCAAAGTTTCAACTCGAATTGAGTCACAAAAG  
AGTTTTAAACACAGAGTTGGATTTAAGGTTTGCCAATACGGGATATGGAAGTCAATACCCACAAGTGCATT  
TCATTCACTATTCTGTGTGGTTGGATAT

>trans\_c\_2907 AY143660|Glycine max phosphoenolpyruvate carboxylase kinase mRNA, complete  
cds

AAAAGCTCTCCTACTTCTATACTACACCCGATAGAGAGAGATAGACTTTCGAGAATTTTGTAGAGAGCAAA  
AACCAAAATCCCCCAATTTCCCAAGGAACAAGTAGAAACCATTCCTCAGCAATGGCCGACATGATCGTGAACA  
GCCAATACCAAACCCCTCGAGGAGATCGGAAGAGGAAGGTCGGAATCATCACTCGCTGCTTCTGCCCAATCTC

CAACAAGTTCTTCGCCTACAAAACCATCTCTAAAACCGATCTCATCGATGAAACTGACAAGGAATGCCTTGTC  
AAGAACCCAAAATCATGGCTCTTCTCCCTCCCCATCCCAACATTCTTCAGTTAATCGACGTTCTCGAGAACGACC  
ATTACCTCTGTTTGATTCCGACCTCTGTGAACCCCTTTCTTTACGATCGGATCATCCGTCGTCCCTTTTCTGA  
ATCTGAAGCTGCCGTCGTTATGAAGCAGCTTCTCCAAGCCCTCGCTCACTGTCATTCCCATGGCGTCGTTTCATC  
GCGATGTCAAGCCTGACAATGTGCTCTTCGATTCCAGGAACAATTTGAAACTCATCGATTTCGGATCGGCTGA  
GTGGTGTGATGAAGACGGATTTATGTACGGTGTCTCGGAACGCCTTATTACGTTGCGCCCGAAGTTTTGAGA  
GGATCTGAGTACGGCCGGAAGGTGACGTGTGGAGTGCCGGTGTGATTCTTTACACGATGTTGGCCGGATTT  
CCCCGTTCTACGGTGAATCTGCGGCGGAGGTTTTTGAGGCTGTTCTTAGAGGAAATCTTAGATTTCCGACTA  
GGGTTTTTAGGTCGGTTTCTTCAGCGGCTATTGATCTGATGAAGAAGATGATTGTGCGAGATGTTTCTAGAAG  
ACTCTCAACCGAACAAAG

>trans\_c\_2908 NM\_105914|Arabidopsis thaliana tRNA synthetase beta subunit family protein  
(AT1G72550) mRNA, complete cds

TTCAACTGATTTTGAGGTTTGTTAACCCCATCTGGGTTTTTGATCAACTTGGCCCTTGGGATACCGATCTGAATA  
TGAAACATGCTAGAAATTATTTCAACTACAAACATTTGGTGCTTTTACAAAGTTTTGCAGTTTTTCAACATTGCC  
AGGTTGTCCGAACCAGTCTTATGCCTGGTCTTTTGAAGTTGTTGGACATAATAAGGATCACCCAAAGCCCAT  
AAGATATTTGAAGTTGGTGATGTATCACTGCTGGCGCTAGAAATCATCGTTATCTTGCTGCTCTATAATTCTGG  
ATTTGAATTGATTCATGGTTTGGTTGACCGAATGATGGAAGTCGTGGGAGCTCCTTTTGTCTCAGTTGGCGAT  
GATACTGGGTATTACATAAAATGTTTCAGATAACCCGGAGTTTCTTACTGGTAGACAAGCTCACATCATTATAA  
AGGAAAGAAAATTGGCACTTTTGGGAATTGTTTCATCCCGAGTTTTTGGAGAAGTTTGACATTCCCGATCCATGTT  
CCTTAGTTGAAGTTAATGAGAGCTTTTATAGCATTGATTCCACAGTCGATGATACGAGTTTTGAGGTTTT  
TCTCAGCTAACTCTCTTCCAAACAACACAGTTCTGTGTTTCGAGAAGCTCGAAGGCTGTCTCGCTTCAACTTTTA  
ATCCCTCATCTAAAGAACCACACTCAGAACTTTGGCCATTTGTGGTGTAATTGTATGCCAAAACGTTGGTTCA  
CTCTCCATTAAAGTTTTTAACTTCATTGTCAAGATTTCAGGCAAACTAATTTTTGGTATTTAATATACAACGGT  
CTATATTTCTTCACTCCTTTTCAATTTTCATCCAATTGTTTGTGTTATATAGTTTAGGGCTGGGTATTGATAAAGC  
AAATTA

>trans\_c\_2909 DQ056441|Lycopersicon esculentum ACI19 (ACI19) mRNA, complete cds

ATGGTGGTGGAGAAGGCGTTCGGATGATTTTTCATAGCCATTAATTTGATCCCAACACGGAGAGATTTTCTGT  
TCTTCGTTCTTTTGATTTCTTTTACCTCTATTTCTACATTCTTCGCTTCTTATTCTATCATTCAATCCATTCTCT  
GAGATTTTATACTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTTCATCAATGGCGTTCAAGAAAACCTAGCTCACCGTCTCTTTA  
ACCTTTCCAAAATCTCCGCGCAATCCCTTACCAAATGCCGGATTTTCTTCTTCCCTTGCTGTTCTGTTCTCTCC  
CAATACTAATACTTCCAACATTGCTCATGATCCGGGAGATCATTCCGTGTTTCGTGTTTTCTTACAAGCGGG  
CGGTTTTTACCCAGCCGGCGATTCGCCGGAGCTTCGGGAGTTGGCAGCCGGAGGGAACATTGTCGAGAAGT  
TTAAATCTTTAGGGATTGCACCAGATCGTATCCGACTTGATTGCCTGCGTCCTCCTGCTTCGGAGACGTTGGCT  
CTGGATCGGGATAGGTCCGACGTGAAGAATGGATTGACAGTGGAGGATGCGAGGAAGTTGCTTAGGGTAAC  
GCGGATGGAGATGGTGAAGAGAAATTTGAGAGAGATTGAGAAATCGTGGATTCCGTATACGGAATTCATTAG  
GGTTTGTTGTCAGGGGTGTGATGATTCTGATCAGGGAAGTCTGAGATTGCTCAAATGCTTGATGAATCTGGGACT  
GTGATTGTTTTAGGAAACGTGGTGTACCTCAGGCCTGAACAGGTAGCTAAAGCCATTGAAGGCCTAATCCCCCT  
TACCATCAGTCATTCCAAATGATGCCATAAAGGGAAGAGCTTTTGAGCATGGAGATCCAGAAAGCTGCAATCG  
ACAAACGAGCCG

>trans\_c\_2910 NM\_122974|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT5G35830) mRNA,  
complete cds

AATTCTTGGCTAATTGAAAATGGAGTCGATTCTTGTTTCCAATCTTTTCCAGCTCTTACCAATTAATTTTATTGA  
ACAACACCGAGTAGAAGTTGTTGTTGAACACAACCTCATTTCTCCACCGTCATATACGGCTGACGATGCCAAAT  
CGGAACCAACTTCCGCCGCCACTTGTCCAATTGCACGACACCGGAAATTAGCCGCACAATAGCCTCCGATTAT  
GAACTGGATCCGGACACCGTGGAGAAAAATCGAGTTGAGACATCAAGACGACTTCTTTTGTACAAATCGGCA  
TTGAAGGGTGATTGGAAAAGAGCTGAATTCGTCCTAAATGATTACCCACATTACGTTCTGTGTGCAATAACGA  
GAAACAAAGAGACTGTTCTTCATGTTGCCGCCGGAGCGAAGCAGAGTGTGTTCTGTGGAGGAGTTGGTGAGTC  
GAATGACCCGAAACGACATGGCTTTGCGAGACAAATATGGAAATACTGCCCTTTGCTTTGCTGCTACATCAAG  
AATTGTCAAATTTGCTAACTAATGGTGGAAAAAATCAAGAACTTCCTCTTATTCGTACTTTTCAGAGAAGGA  
ACTCCACTTCTCATTGCAGTTTCTTATAAAAGCAGAGATATGATTTCTTACCTTTTGTCTGTCACTGATCTTAGCC  
AGCTAACTGCCCAAGAACGGATTGAACTTCTTATTGCCACTATCCATAGCGATTTTCATGATTTAAGCTTGTGG  
ATTTTGAAGCTATATCCGGAGTTAGCGGTGATGAAAGATACAAAGAACAATAGTGAAACTGCATTACATGTAT  
TGGCCAGAAAACCATCTGCCATGGATAGCACAAAGCAGCTACAAAATTGGAAAATGCGCATCAACTCTTGA  
GATCATTNATTCCAAAC

>trans\_c\_2911 Novel Gene

AGGGGAGAAAGAACAAGGCAAGTAGGGAAGTGAACCTTTCCATAGGAATTTCTACGGCGGTGCCGGTTTA  
GGAGAGAGTTGAAGGCGAAACACCGTTACCCGGAGAAAAATGGGCGCCGGAGAGGAGCAACAACCGGAGC  
CAACCTTGAGAACGTAACCACAGCATCTTCATATCGGCAATTGCAGAGGACCTGCAGCGCACGGTTGTTCA  
ATCAAAGGATTCTGCAATTCGCTCTGCTCGTTCTCTCAAGAGGCCTCTTCTCCCATATCCGCTCCTTCAGGA  
TTTTGTACCCCGGGCAACATCACAGTTCAAACTTACGAAGATGCTTTTTTCCGCAAACTTACAGATGAGCTTA  
AGATAGCTAGGGAACCCAGCTGCCACGATTGGAGTTGCTGTTACAGCTGGCCTTCTCATTATGCGAGGACC  
AAGAAGATTTCTTCCGCCATACGTTGGGTCGATTTCAACTGAGGAGGCGAGTTTTTTAAAGGCTGAGAAG  
CATGTAAAGGAGTTGAACCTTTCAGTGGACCTCATGAAGAATGAGAGCAAAAAATTGCTTGAGAGGGCTGCT  
CTAGCTGAAAAGGATATGAAATACGGCCACAACGAGCTGATGAATGCTGGAAGTCAAATTCAACATCTTTCAA  
GGTCAATCTACAAGGCTGAAGCCCAAGCTGCAGATTTGATGGATGGGCTGAGGGAAATTTCTGGTGGCTTCG  
ATGACAACATTTTTGAAGCGTCAAAGGACTTTGCTTGAAAATAGGGCAATGAAAGTCTCCGACATGGGGATT  
CTCTATGATAAACTGGAGATTGAGGTATGGAGTATGTAAGTTGTTCCCTGCTAGCAGATGCCTATGACAATTT  
GATCTTAAATAATTTCCAATGTGGGG

>trans\_c\_2912 NM\_001069019|Oryza sativa Japonica Group Os08g0557400 (Os08g0557400)  
mRNA, complete cds

GGGCTTTGCATTTGCAGCTTAGAGTTGACGCAAATCTTGTAAGCCATTTTGTCTCTCTGCTTTGCTTCACCTC  
TGAATGTCTCGCCATTGATTGCTTTTCGACCTATAAAATACCCCCATCTTCAGAAATTCAATCTTTCTCGAAGTT  
CTCGTCGAACCCATTTCTCAACGTCATTCTGAGCTTCTTCATGGCCGATTCTTCTCTTCCAGAAGCTCAGAAA  
CAGAGACGAAACCTTTCTCTGTGCTTTTCGTTTGCTTAGGTAACATCTGTAGAAGCCCAGCTGCTGAAGGAGTA  
TTCAGGAACTTGGTGACGAAGAAGGGTCTCGATTCCAAATTCATATCGATTCTGCTGGTACCATTGGTTATCA  
TGAGGGTAATGAGGCCGATCCAAGAATGAGGGCAGCCTCCAGACGACGTGGGATAGCCATAACATCCATCTC  
GAGGCCAATCCAGCCATCTGATTTTGTGAATTTGATCTTATTCTTGCTATGGACAAGCAAAACAGAGAGGAT  
ATTTTGGGGGCTTTTGAACGGTGGTGCACAAAGAATGGCCTTCCTCCCGATTACATAAAAAGGTCAAGTTAA  
TGTGCTCGTATTGTAAAAAGCATGACGAAACCGAAGTACCGGACCCTTATTACGGTGGGCAGCAAGGTTTTGA  
GAAGGTTCTGGACTTGCTTGAAGATGCCTGTGAATCACTGTTGGAAGCATCTTAGCAGAGAACAAACACATT  
TCAGATTAATGATTTTTGCAAAATAATGCAAATTATTCAATTAAAGCAATGGTGATCCATACGTGGAATGGATT  
TCTAGTCAGTTTGTCTGTTTATTCTTACCGAAGAATATTTGTCTTACTCGAGCAAGTTGATTTGAAGTTGAATGTA  
TCATTGCAGCCTT

>trans\_c\_2913 BT000475|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

GGGGGGGATTAGAAGGATATTTTATTTCTAGAGGGAAAAGAATATCCGTTTCGTTGCATTAATCATCGCCGTT  
CTCCACCATGACGACAATCGGATTCCGCCTTTTCTCAGTTCCTGCCGCCGTTTCACCACCTTCTCAAAGTCCGAA  
CAGCGATCAATTTCAAGAAAAGCCAAACGCTGCGCCATCAACTTCCGATTACTACATCTCGCAGAGGCCTCACC  
ATGCTCTCATTTATCTCTGCAATGCCGTCTCTGTTTCTCCCGCTCCCGCCAGTGCTTTCGATATCGGCATTTAG  
GACCAAAGGATTGGTTGAAGGAGCAGAAGAAGAAGTCCTCCAAATTCCTCTTGGCACCAATTGAGGCCTCCA  
GAGACAGCCTTCAAACAGTTTACCTTTTGCTTTCCAACGATTCCGATTACTCAAATAAGGATATGGAGGATGTT  
CAAAGACTGCTTAAGTCCGCTGCAAGGGATTGCGTTTGAAGGACAGAAGTTCGTTTGTTCATTCCAAGCGA  
GCACTGGAGTCGAGGTCTGTACATTCCAATTGATTGTGAAAAATGCAGCCTCCTTGCTTGAAACAAAGATCC  
TATAAACTAGAAAGCTGAAAATCTATTAAGGATCTAGTAAGCTCTTTCACATCTCTGAACAGTCTTGCTTATG  
AAACTGATATTCAAGTCAATTCCAATAGACAAAAAGTACTGGATGCACTGAATGATACCATGACTTCCCTCGAC  
AAATTTGAGAAGGGTATTAAGGATTGTCTTGAAATTTAACTCCAATTAACCTTTTCTGTAATTATATTTTCTTG  
TCTAAACAAGCAACAACTAGATGAAACCAAAAAAAAAAGCTTTTAAGCTCAATCTCAGTTAGCTTCTTTATTGCT  
AAATCTAGTGATT

>trans\_c\_2914 NM\_179417|Arabidopsis thaliana ATP-dependent protease La (LON) domain-  
containing protein (AT1G35340) mRNA, complete cds

TGGATCCTGTCGCTGTCACTGACTCATCAAGGGAAATATCGTTTGCAGCTAGACATGCTTGTTTAGTTTTATT  
GAGAATTTTCAGCTAATTGCAGGTTCGAGAGATTGCAGGTGGGGGCATTAGTTACCATCAGAGGAATTGGACG  
CGTCAAAATCATTGAGCTTCTGCAAGCAAGTGGATCCTTATTTACGTGGCAGAATTTTATCTGTGAGGGATAAT  
ATTGTTCAAGATGAATGTTTCGTTAAGTTCAAAAGTGATGGACGTCAAAAACGTTCTTCATAATTTGAATAGTTT  
GGAGATCAAATTGAAGGCTCCCAAGGAGGTATTGTTGCAGACTCAAATACTGAACTCACTTAATTGGGCTGAA  
AAGGGTATATATGTGGACATTGATCAAAATTTTGTACCATCGTTGGCCGAAAGAGTATCGTTCGCAGCCTTCC  
AACCAATTTTCAGGATCAACTAAATCTGAATTACAGAGTTTGCAGCTAAAAAACTCAAGGCAATGGATATGAA  
GAATACACTTGAAAGGCTAAATAAATCATTGAAATTAATAAAAGAAAATATTTCTACGGTGGCAGCCAACTT  
GCTATACAATCAATTGAAATTTAGTAGTCTGAAAATATGGCTTGACATTCCGTGGTGATGATAACCAACCCC  
AATCATGAAAGGTTGTGAAGTTGTCAACGTGGGAGTTCAATTTACTTTGTTGGCCATACATGCAATCCTAAAC  
GTATTTATGCTATTTTAATTATTTTGTTTTTTGTTTTTCTTTTCTTAAACTGATCTAATAAATTAAGGACATAC  
ATTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2915 XM\_002299290|Populus trichocarpa isomerase peptidyl-prolyl cis-trans isomerase,  
mRNA

AACGGAGCAGCAGCTACTCTCTTTAGCACAAATCTCCATCCATGGCGTCTTCTCTCGCTACTAGGCCTCTGGT  
TGCTTCGCTTCTGGTTCCCATACCAAAGCTTGGGGTCCCTCTAATTCGGTTAAGCTTCATATGCTTCGATTGCC  
GTCCTCTCCAGTTTTCTATCGGGTTCCTTGCACTTTCCTTCTCTCACTTCTTTGAACCCCTTGCTTCGAGG  
ATTTCTGTTTCGTAGCTTCGTCCGAGCTAGTGCTGAGGTACCTCCTTTACAAGCGAAAGTGACAAATAAGGTGT  
ATTTTGATGTGAGCATTGGTAATCCAGTAGGGAAGCTTGCTGGGAGGATTGTGATTGGATTATTTGGGGATG  
ATGTCCCCAAAACGGCAGAGAATTTCCGTGCTCTTGCACAGGAGAGAAGGGCTTTGGATTCAAAGGTTCTGC  
CTTTCATCGTGTAATCAAGGATTTTCATGATACAAGGGGGTGACTTTGACAAGGGAAATGGAAGTGGGGGCAA  
AAGCATATATGGCCGTACATTTAAAGATGAAAATTCATTTGAGTCATACTGGACCAGGAGTTGTCAGCATG  
GCGAATGCAGGTCCAAATACTAATGGAAGTCAATTTTTCATATGCACTGTCAAGACACCATGGCTGGATCAGA  
GGCATGTAGTTTTTGGGCAAGTCTTGGAAGGGTTTGAGACAGTTAAGCTAATTGAGTCGCAAGAAACAGACC  
GTGGTGACCGGCCGTTGAAGAAGGTGTCATCAGTGATTGTGGCGAGCTTCCGGTGGCCTAACTTATCTGTG



ACCAGATAACTAATCCTATCTCTGGATTTTAGCTAATCTTCAATTAATGATCTTTCTTCAAGTCTTTTGCTTTA  
ATCTGGTTGTTGGGTGAA

>trans\_c\_2916 NM\_001036117|Arabidopsis thaliana TAF7 (TBP-ASSOCIATED FACTOR 7); general  
RNA polymerase II transcription factor (TAF7) mRNA, complete cds

CTCTCGAGTCTCGACTCCCTACCCGGCTACCCCGCGCCATCGGTATCCATATCCTTCCATCTCTTGCTCTTGCTT  
GTCTCTAGCCGGCGTCAATCATCAAAAGAAGGAAACAGTTTACTCTCTCTGTACGAGGGCTGTTTCAAGCTC  
GATCCAAAGTATAGAAAACCTTCACACAATAACTTTGAGCTTTCAAGCTTTTGAAGTCTATATCCGAAAATTCA  
ATCCCTGAATCCAAGGTGTAGGCCTTTATGAGACCAGAAAGAAGCGTAGCTCGAGGGATAGAGTTTTGTTCA  
TTTAGACTCTGAAGTTATGGAGGAACAGTTTGTATTGAGGGTTCCACCGTCTGTTGCTGAACGAATTGAACGT  
CTACTAAATGAAAATGCTTCTTCATCTGAAGATGCTTCATTGGATTGTCTTTCTCTGAGGACGGGAGAAGTGG  
AACTTTTGCCATTGGTGATGATCATTTTCCAGCATCTCTTCTGGATCTCCCTGTGTAGTGGAATCCTACAAAC  
ATACGATGAAACTGTGCTAATCAAAGCTGCAGACATTGGTCAGATGATTATGGTTAGAGAACCGGGTGATCCT  
GCTCCAGATTCTACTGAGTATAGGCATGGTCTGACCCCTCTATGAGGGATGCTCGAAAGCGTAGGTTTCGAA  
GAGAGCCAGATTTAAATCCTGAGCTTGACGACGTGTGGAGAAAGATTTATTAATATCATGGCAGGAGGAA  
CTACTGAAAATGCAGATATCCTTCATACGTTATGGTTATGCTTTTCAGTTTCATTTGTGTTTTAACTCATTAGC  
ATATTAGTTGATGAACAAACGTGTCCATCTCCACCCTCAGCCGCATCGTTTAAGATTGTTTAAAGCTAATAATA  
TAATGGAATTGAG

>trans\_c\_2917 Novel Gene

AATAGAATAGAAAAACAATTAAGGGAAGGGAAGGCTTTTCTTTGACGACCAATCTCCGAATTCGATCTTCCTC  
CCCAATCGGAATCACATCCTCTCTCCCTCGTTTAACTTTCCGGTGACTAACCAGAGAGGTACAGTTTTGTGCTG  
TGTGTTTCATGGACGAGGTGATGACGGTTGGGGATGCAGCCTCATCTTCCATTAAACCTCGCCGGCTCCTTTC  
CTCGCTTCCAATCTCCCCCTCTCTCCGCCTTCTCGCTGGCGCCATCGCCCAGTTTCTCAAACCTCTTACCACCT  
GGTATAAGGAAAGAAAATGGGAATCTAAACGGATGCTTGATTCTGGCGGAATGCCTTCATCTCACTCTGCAAC  
TGTGTCCGCTTTGGCCGTTGCTATTGCCTTCCAGGAAGGATCCGGAGGACCTGCTTTTGCCATCGCCCTGGTCT  
TTGCATGTGTTGTAATGTATGATGCTACTGGTGTGCACTTCATGCTGGTCGTCAAGCCGAGTTGCTGAACCA  
AATAGTTTGCGAGTTTCTCCTGAACATCCTTTGTCCAGTATTAGACCATTGCGAGATTCATTGGCCACACTCC  
ACTTCAGGTTATTGCAGGTGCTGTGTTGGGATGTGTAGTGGCTTTTTTGATAAGAAAATCAAATTAAGCGTG  
GAATTTGTACATCAGGATTGAATTCGACATACCGTTGGTTGGAAGCACTCGAACCTTAGAAAAAGTGATAGTA  
AAGAACGGGTGGTGCTGCTAAGGTGTTGTGTAATCAACACTCAGATGAATGCAGAAATGATATATTCTTTTGG  
TGATAAAAGCCTCTCGATCATCCCATTCACATTGAAATTGTTGCCTAGATTTGCATATATATATGAATAGATACA  
CCTAGTTTTAATTC

>trans\_c\_2918 NM\_113031|Arabidopsis thaliana electron carrier/ oxidoreductase (AT3G21360)  
mRNA, complete cds

ATTCATTTCTACTATATTTGATACAGTATTGGGGCCGCAAAATGCGTTGTCGTCGAGCTCTTCGAATCTAGA  
CCAAAGCTCGTACAGGTGGAACACCGCAGCCTCCCTCCACCGCACAACCTCATCAGCTGCCGCGTCAGCGTCA  
AGCGCCACCGTAAACACAAAACCTCAAATCCAAGTCCGCGCAACTGTTCCCCCTAGTATATCAGAACTACC  
ATGGCCGTAGAGAATTTAATGGAAATCAAATTCGCATCAGAAACACTACCGTGGAAGTTATTTCCATTAGT  
TTTATCGCCGTCTTCGGCTTCTTTCAGTATTTTCGTCTTCGCTCAAGCCATCAAGGCCAGAAACCAACAATTGA  
TTCCTTGATTCTCAACTCCGGAGCCATACTCTTTAGAGGTTTTCCGGTAGAAGCGGCATCCGACTTCAACGACG  
TCGTTGAGGCCTTTGGTTACGAGGAGTTTCTTACGTGCGAGGTGCAGCTCCTCGAAGTAAGGTCGTTGGTCG  
GGTTTTACGGCCAACGAGTCCCCGCCAGACCAAAAGATCCCTTTTCATCACGAATTGGCCAGGTGTCTGAA

TTCCCTGCCAAGCTGTTTTCTATTGTGAAGTAGAGCCTAGAAGTGGTGGAGAAACACCCATTGTTCTCAGTCA  
TGTTGTTTATGAGAGAGTGAAAGAGAAATATCCAGAATTTGTTGAGAGGTTGGAGGAACAGGGCCTAATTTA  
CACTCGCGTGTTGGGAGAAGACGATGATCCATCATCTCCAATCGGCCGTGGTTGGAAATCTACATTCTTGACT  
CACGATAAGAGCATTGCTGAAGAAAGGGCAGCTAAGTTGGGGATGAAGTTGGAGTGGTAAAAGATGGAGTG  
AAACAGTAATGGGTCCATCC

>trans\_c\_2919 AY054521|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g42770; F7D19.23) mRNA,  
complete cds

AACCAAATATAGAAGGGGTCACGTTTATCGATTAAAGCTGCGATGGGTAGCTTAGTACACGAAAAACACAT  
GTGTTGCCGCTGCACAACAAAGCAGCCGACTCTTCTTACCTTTGACGGTTAAATAGTTTCTCTGTCTGCAC  
ATATTTGGTAGGCTCTCTCTCTTCCGGCATGGATGCTTTGAGCGGAGGCAATGGCGGACTCTGGGGCTGGAA  
CTTCTCTTCTCATTCCAAATCTTCTCGTAACAACAAGAGAAGATCATTCGAGCCCAAATCCTCTAATTCCTT  
GGAAGCGACTGGTGGATCTGGTTTTCGTTTTCTATAAAGCAGTACGTGACTGCAGGCTGTCTCACTCTCTCCG  
GCGACACTATTGCTCAGTTCTTTAGCCGATATCGTAAGGGAATCGCTTTGAATTCCACTTCTCTCTGATTCTG  
CCTCTGCCGACAAGATGAACATATTTTTAGAACATGATTGGATTGGTCTTTGCGGATGGCTTCTTATGGATT  
CTACTCTATGGTCTGGATCCTTTCATGGTACAACATCTTGATCATGTTTTGCCTAAGAAATCGGTGGAGAA  
TCTTATTCTTAAGGTTATCTGAACCAAATTGTTCTTGGTCCAGCAGTTATTGGTGTGTATTTGCATGGAACAG  
TCTCTGGCTAGGAAAACCTCTCCAGCTTCCTGAAATGTACCGAAAAGATGCTCTTCTACATTGTCTTATGGGG  
TTAGGTTCTGGATTCTGTCTCAGCATATTGAATTTTTGGGTCGTACCACTCCAAGGTCGGGTGGCATTCTGTCT  
GTGGCCTCTATATTTTGAACCTTCTATTTGTCTTCAACCATGAGCAAGTGACTCGATCTAGGAAAATTCTAAGC  
TCCATGTGCA

>trans\_c\_2920 NM\_104152|Arabidopsis thaliana HTA9 (HISTONE H2A PROTEIN 9); DNA binding  
(HTA9) mRNA, complete cds

ATCGAGAGAGAGAGAGGGGTTGTGGGCATTACTTTTATGTACCTCGCTTCCCGTCGTTCTTATCGGTTCTTTTC  
CCTTTCTCTTCCAAACAATCTTCCAATACTCCTCTTCTACTCCCACAGAAGAGGAACCCTATTTTCTTTGCCTG  
CAAAATGTCGGGGAAGGGAGCCAAGGGTCTGATAATGGGCAATCTGCCGCAACAACAAGGACAAGGATA  
AAAAGAAACCCGTCTCTCGCTCTTCCCGCGCTGGTCTCCAGTTTCCAGTAGGAAGGGTCCATCGGCAACTGAA  
GTCGAGGGTTGCTGCCAATGGACGAGTCGGAGCTACAGCAGCTGTATATACAGCCGCAATCTTGGAGTACCT  
GACTGCAGAAGTGTGGAGCTGGCGGGGAATGCAAGCAAGGATCTGAAGGTGAAACGTATAACACCAAGGC  
ATTTGCAGCTTGCAATCAGAGGAGACGAAGAGCTTGACACACTCATTAAAGGAACCATTGCTGGTGGAGGAG  
TCATCCCTCACATCCACAAGTCACTCATTAAACAATCCTCCAAGGAATAGACTTTATCTGTTTTTTATCTTCATC  
TTACAGTTTAGTTGAGTGGTTGGTTGTCATATGCTCAGTCATGTCTGTTCTAATTTAGTAGTGTCATAT  
TATCAAATTCTACTTTTGTGATGATTCTTCTATCCATTGAGTAGAGGGGAGGAGATAAGAAGATATTTCTC  
GTTTTGTAAGTTTTAAGATGGTAAATCTTTTTCATTTTGTAGTAATTTCTGACTCTGGATTGCTTGGACACTGTCAA  
ATTTACTTACCTGCCAATGTAATTGATGACTTCGCATTTATACTATTCTTCTTCCCTCTGCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2921 NM\_001063027|Oryza sativa Japonica Group Os05g0591900 (Os05g0591900)  
mRNA, complete cds

GACCACTTCTATAAACTCGATCCTTGTTCTCAAACCGCCCTTGAATTCCAATCGCAGTGGTTTGTGAAGTTTAA  
CACAACTAAAAGTTCAAGATATGGGTAATCTTTTTGTTGTGTGCAAGTGGACCACTCACTATAGCTATCA  
GGGAGAGGTTTGGCAAATTTGAGGAAGTTCTTGAGCCAGGATGCCATTGCTTGCCTTGGTTTCTTGGAGCCCA  
GATCGCTGGCAATCTGTCTCTCCGGTTGCAACAATTGGATGTGCGATGCGAGACCAAGACAAAGGATAATGT

GTTTCGTTAATGTGGTTGCCTCTATTCAATATCGAGCACTGGCAGATAAAGCAAACGATGCATTCTACAAGCTCA  
GCAATACAAGGTCCCAGATCCAGGCTTATGTTTTTGATGTGATCAGGGCAAGTGTTCCAAAGCTCAACTTGGA  
TGATGCTTTTGAGCAGAAAAATGATATTGCTAAAGCAGTAGAAGATGAACTGGAAAAGGCTATGTCGGCTTA  
TGGCTTTGAGATTGTCCAAACCCTCATTGTTGATATAGAACCAGACGAGCATGTTAAGAGAGCAATGAATGAA  
ATTAATGCTGCTGCTAGATTAAGGGTGGCAGCCAATGAGAAGGCAGAAGCAGAGAAAAATTTACAGATTAAG  
CGAGCTGAGGGTGAAGCTGAAGCCAAGTATTTGTCAGGTTTGGGTATTGCTCGGCAGCGTCAAGCAATTGTG  
GATGGTTTAAGAGACAGCGTTTTGGGATTTTCTGTTAATGTTCTGGGACGACGGCAAAGGATGTTATGGATA  
TGGTGCTTGTGACCCAGTATTTTGACACCATGAAGGAAATTGGAGCTGCCTCTAAATCAACTTCTGTGTTTATA  
CCTCATAGACCTGGAGCCGTT

>trans\_c\_2922 CT028457|Poplar cDNA sequences

CTGGGTTCAATTGGTGCTTGTTTTAACGTTGCATGGGCGCTATGGGTTTACTTAGTGGTGATGTTGTTTCTAATA  
GCTACGCTTATGGGATTGACGATATTTGGGTTTATAGTGACGGCAGCGGGGGAGGAGTGAGGCCACCGGG  
TGGGAGGGTGTATAGAGAGTATCATTTGGAACAATACTCACCTTGGTTGAGGAAGAGAATTAAGGATCCAAG  
GTATTGGCTAACCATTAGGAGTTGTCTTTGGGTTCTAAGACTTGTGCTCAACTTGCTTCTTGGACTCCTCTTGA  
TTATCTTCAAAGAGATATGTCCCAATTGAGTCAGGTTGTTGCAAGCCTCCAACGGCATGCAACTACGACATGA  
TGGCAGCAGGAGCCATGGTGTCTCAGGATCCGGGTTGCTATCGATGGAACAATGCCCTACCTGTTTTGCTA  
CGAGTGTGACTCCTGTAAAGCAGGTGTCCTTGAGAACGTTGGAAGAGACTGGCATAAGCTCTCCGTTCTCAAC  
GTCGTTGTGTCATCCTACTCATCGGTGTCTACTGCGTTGGTTGTTGCGCCTCCGCAACACAAAGAGGGCTGA  
GACTGACTACCTTATGGTCATAATCAGATGACCAAAGTTGACCAAGATGGGACTACTGTTGGAGATGG  
TTGCATGACAAGAGAGAACAACCTTTATTAACAGACAAATATTCCATCCTCCATTTCCAATTGTTCCCTTTCACTT  
TTCTTCTGTTGAGAACATCAAAAGAGTGGTCTCAAATTTCCCTTTTCACTTATGCTCTTCTTTCTCCCTCCTT  
GTTTTGTATAGACTTTTTTTTCCCATCTATATAAGTAATTTGAAATTCGAATTTTGAAAGTACTTACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2923 AY579881|Medicago truncatula AML1 mRNA, complete cds

ATGACTGGTGGTCTTGGTCTCCGACAAATATGGTTGAAAATGGCTCTCCCAACTTTAGAATGATGTCTTTGCC  
CAGTAGGCGAGTTGAGAATGTTGGGAACCAAATTGAGAGCAAGAAGCAGTATCAGCTTGATTTGGAAAAAT  
TGTCAGTGGGGAAGATACTAGGACGACACTAATGATAAAAAACATCCCCAACAGTACACGTCAAAGATGCT  
TTTGCTGCTATTGATGAAAATCACCGTGGTGCTTATGATTTCTATACTTGCCCATTGATTTCAAGAATAAGT  
GCAATGTCGTTATGCCTTCATCAATATGGTGTCACCACACAGATTATTCCCTTCTATGAGGCATTCAATGGT  
AAGAAGTGGGAGAAGTTCAATAGTGAAAAGGTTGCTTCACTAGCTTATGCTCGAATTCAGGGCAAGACTGCT  
CTAGTAACACACTTTCAGAACTCGAGCCTAATGAATGAGGACAAGCGATGTCGGCCGATTCTCTTTGATCTG  
AAGGCCAAGAGATTGGTGACCAGGTGACATGTTGTGATCAATCCTAGTTGTTCTTGTTCAGTGTGTGTTGTATT  
TTTACTCGTCTCGTTTTGTTGCACTTATGATTGAAAGTGGAGATGCAACTTAACTGAATCATGTAACTGGTAG  
TTTGTATCCAGAGAAGATCCCTATCATTTCCGCTGACCGATTCAATATGTTGTCTATCACAAATCCAGGATATTC  
TCCTCTCCAGCAACCTGAACATATGCATTGTCAGCCAGATGGATCATACTCAGGGGACTCATTGGACAGCCC  
AAAGGGCCACCCAGATGAAAAGCCAGAAAATTAACCTATTCTGGTTTCATTTTCTAGCCTTGAGATTAAGAAA  
GGCTGGGAAAACCTAAGT

>trans\_c\_2924 AB022326|Arabidopsis thaliana mRNA for nClpP1 (nuclear encoded ClpP1),  
complete cds

AAGAGGAGATATTCACGGAGGTCACTGCCAACAATTACTTGCTTGACCATCTTCTTCTCCTTACCATCTTCG  
CCGTCGTTGGTTTCTTCCAGCGGATAAGGCCTCTCCGACTTCTCCCAACTCACGCCTCCTCCTAATTCTCCGC

CACTTTCACTTTCTCCTGTGATATTTCCCAACCTTTACCTGCAAAAATGGCCCATACTTTCGCCTACACATCTGCC  
TCGTCTTTCCGATTAACTCTCTCGTTTCTGTTCCAAATTCTAGCTCTTCTTCTGACTCCCAGAAGTTCTTTCTTCC  
ACTGGAGCCTTTTCACTCGAGGAACTAGGAAAATTAGTTGGAGGTGGAAGGAACCTCAAGAATTCTCCAGT  
AAAAGCCATGTACTCGGGGGAGTTTTCATCAATGGATAGGAATTCTCGCCAAGGAATTTGGTCTATAAGGGAT  
GATGTGCAAGTTCCATCTTCACCATACTTCCCTGTTACGCACAAGGGCAAGGCCCTCTCCAATGGTGCAAGA  
ACGCTTCCAAAGTGTATAAGCCAGCTTTTCAATATAGAATTATTCGTTGTGGTGGAGCTGTTGATGATGATA  
TGGCAAACATCATTGTTGCTCAACTTCTATACCTTGATGCTGTTGATCCCAATAAGGATATTGTGATGTATGTA  
AATCCCCTGGTGGATCAGTTACAGCTGGTATGGCCATTTTTGATACTATGAGACATATTAGACCCGACGTTTC  
TACTGTCTGCGTTGGATTAGCAGCCAGTATGGGAGCTTTCCTGCTTAGCGCTGGAATAAGGAAAAAGATAC  
AGTTTGCCAAATTCAAGGATAATGATCCATCAGCCTCTCGGTGGTGCTCAGGGTGGACAGACTGACATTGATA  
TTCAGGCA

>trans\_c\_2925 NM\_001065959|Oryza sativa Japonica Group Os07g0301200 (Os07g0301200)  
mRNA, complete cds

TGGTTGTAGGTTGAGAGGATTTGGCTGCCAACCATGATGTCATGCAAATAGTTGAGGTCTTGGATGATCGATT  
ACGTGATGATCGTTTAGGGGCTCTGCTTGAAAAATACCATAAATCCCAAAGGAACAGAGTATTAGTTTTGTCT  
TGTACAAGAATGAGGCTGCTCGGGTTGAAAGAATGCTTCAGAGAAGGGGTTGGAAGGCTGTTTCTGTACACG  
GTGACAAAGCACAACTGAACGCACAAAAGCATTATCATTATTTAAAAGTGGTAGCTATCCGTTAATGATAGC  
TACTGATGTAGCAGCTCGAGGTTTGGATATTCCAGATGTAGAAGTAGTAATTAAGTATAGTTTTCTCTTACAA  
CGGAAGATCATGTCCATAGAATTGGAAGGACTGGACGGGCGGGTAAGAAGGGTGTGCTCATACTTCTTCA  
TGCAGCAAAACAAGGGACTTGCTGGGGAGCTGGTAAATGTTCTCCGAGAAGCTAAGCAAGTTGTACCTGATG  
CGCTTTTGAAATTTGGTACTCATGTGAAGAAAAAGGAATCAAAGCTCTATGGAGCCCACTTTAAGGAAATTAC  
GGCAGATGCCCCCAAGTCCAAGAAAATTACATTCAACGATTCTGACGATGAATAATACTTCTAACTAAATTCTC  
CCAATTTTTTTCCAGGTCCAAAAGCAAGTAAATGCTTCGTTTTTTGTAAGATGTTTAAATTCATAATAGGAACC  
ATGTATTTTCTCTTCTATTCAATTTTGTCTTGTGAGCTCATTATGTATTGATCAACGAGGATTGAGAAAAGAC  
ACTTATCAATTTGCAAAGCAATATTATCACATTGCAAAATGGTGTGCTATTGTGCAAGTTTTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2926 XM\_002879454|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At2g34460/T31E10.20, mRNA

GCGGCTGTAGAGCGGTGGGAGAGAGATCCGTGGCTCCGCAATGGCCTCTCTTTTCTTCCCAACGCCATCACT  
TCTTCTTCTCCAAATTCAACTCTCAACGTCTCCATTTTTGTCTCTCTGCAATTCCTTTCTCTCCCTTTCTTCTCC  
TCCAACAGATTCTCCTCCATTTCATTCTCAACTCCAACAAGATGGAAGGAAATGAAATTACGGAAGAAGTTGC  
ACAGACACAAAGCGAGGAGAATTGCAATGTAAAGAGGAAGATTTTTGTGGCCGGTGCATCGGGTAGTACTG  
GAAAAAAGATTGTGGAGCAGTTGTTAGCAAGGGGATTTGCAGTCAAGGCCGGGGTTCGAGATGTAAGCAAG  
GCTAAACTACTCTTTCCCAGCCAATCCTGCTCTTCAAATTGTCAGAGCGGATGTGACTGAAGGCTCGGCAAA  
GTTGGCAGAGGCCATAGGTTCTGATTCTGAAGCAGTAATTTGTGCTACGGGCTTTGCGCGAGGATGGGATTTA  
TTTGACCATGGAAGGTTGACAATTTGGGCACTGTAAACCTAGTTGAAGCATGCCGTGGTTTAGGCATAAACA  
GATTTATTCTGATCAGTTCCATTTTAGTCAATGGAGCTGCAATGGGACAAATTCTCAACCCAGCTTATATCATTT  
TAAATGCATTGGGGCTCGTCTTGATTGCAAAGCTTCAAGCAGAGAAGCACATCAGGAATTCGGGTATTAATTA  
CACAATAATAAGGCCTGGAGGTTTGAAAAATGAGCCTCCACCGGAACTTAGTCATGACACCAGAAGATACT  
CTTTATGAAGGAAACAAACAAGAGATTTAGTTGCAGAAATAGCGGTTGAGGCATTGCTTCATTCTCAAGCCT  
CTTAACAAGGTGTCGAA

>trans\_c\_2927 X83999|S.tuberosum mRNA for NADH dehydrogenase, NADH-binding subunit  
(complex I)

AAACCTCCCAGCTTGAGCTAGGGAAAGATATTCAATCTACCATTGAGATTTTGTGAAGGAAGAAAACAAGT  
TTCTAGTTGGATCTCCCTCAATCGCCTGCGCGCCTCAGGATTGAAGCACTTCATGCTATGGCACCTTTTAGGGG  
CATGCTTTATCTTCAACATAGAACATTGGCAAGGCGTTATATTGATCAGTGGGGCATAGGATTGAGAGCGTTT  
AGCAGTCAGGGTGCAGCAGCTCCTGGCAGTCCTCAGCCTCCCCCACCTCCCCCACCTCCAGAGAAAACCTATT  
TGGTGGCTTGAAGGACGAGGACCGAATCTTTACCAACTTGTACGGTTTACATGATCCCTTTCTTAAAGGTGCCA  
TGAAACGTGGTGGATTGGCACAGAACTAAAGATTTAGTACTTAAGGGTGCTGATTGGATTGTCAATGAAGTAA  
AGAAGTCTGGCCTCCGTGGTGGTGGAGGTGCTGGATTTCATCTGGACTTAAATGGTCATTTCATGCCCAAAGT  
ATCCGATGGTCGCCCTTCTATCTCGTTGTCAATGCTGATGAAAGTGAACCTGGAACCTGTAAGGACAGGGAA  
ATCATGCGGCACGATCCACACAACTCTTGGAGTTTGTCTGATTGCTGGAGTTGGGATGAGGGCTACTGCTGC  
TTACATATACATCAGAGGTGAGTATGTGAATGAACGAAAGAATCTTGAGAAGGCCAGAAAGGAGGCTTATGA  
AGCTGGACTGTTGGGCAAGAATGCATGTGGATCTGGTTATGATTTTGACGTCCACATCCACTATGGTGCTGGT  
GCTTACATTTGTGGTGAAGAAACAGCTCTGTTAGAGAGCCTTGAAGGGAAACAAGGGAAACACGATTGAAG  
CCACCTTTGAAGTGATTACGTC

>trans\_c\_2928 BT029737|Arabidopsis thaliana At5g17640 mRNA, complete cds

ACGTTTAACTGGACGTCAGTCCTGAGTGGGGTGATGGGAAGCCAGTCATTCTTTTAAATGGGTGGATAGGC  
ATTGGCAAAAAGCAAGAATGAGAATGGAAGACATGGAGCAGAGCTTCATTTGAGAGTTAACTAGATCCTGAT  
CCAAGATATGTTTTTCAGTTCCAAGATGTTACTAGATCAAGCCCCAAATCGTCCAGCTTCAAGGCTCAATCAA  
GCAGCCGATCTTCAGTTGCAAATTTAGTCGAGACAGGGTATCCAGGCGGATTCTTGAGCAACTATTGGTCA  
GGTCTTGGTGATGGCTCGGATCTTGAGGTCGAGCGAAGAGAAAAGAAAGGCTGGAAGGTGAAGATACATGA  
TCTTTCTGACTCGGCTGTTGCAGCAGCCTTCATACTACTCCCTTTGTGCCATCAACAGGTTGCGATTGGGTTG  
CCAGGTCAAACCCCGGGTCTGGCTGATTGTTCTGCTGATGTTTGCATACCTGAAAGTTGGCAGCCATGGGG  
AAAGCTCGAGGCGTGGCGCGAGCGTGGGATTAGAGACACTGTCTGCTGCTGCTTTCACCTTCTCTGAAGCC  
CAAGAGGGAGGTGAGCTTCTCATGTCTGAGATCCATATCAATGCCGAGAAAGGCGGGGAATTCTTTATAGAC  
ACCGACAAACAATTGCGAGCAGCAACAAGTCCAATACCGAGTCCACAGAGCAGTGGAGACTTTGCAGCATT  
GGCCAAGTGGTTGGAGGCTTTGTCATGAGTTGCAGAGTACAAGGGGGAAGGAAGAACCAGTAAGCCAACGG  
TTCAACTCGCAATGCGACACGTGACATGTATAGAAGATGCTGCTATTTTCATGGCGCTTGCAGCTGCAGTTGAT  
CTCAGCATTGAGGCATGTAGGCCCGTC

>trans\_c\_2929 BT022095|Arabidopsis thaliana At5g04440 mRNA, complete cds

TTACTTCCTTCAAAGCCTCAAATATCAATATCCGTTACAGTTCCAATTCCTCTCTGCAAAATTCTCCTACTTCTC  
TAATGGCCTTCAGCTCTTGTTCTCCCTCTTCCATTTCCCTTCATTACAAAAACCTCAAAACCCCTTTTCTTTCACC  
CACAAGCCATTCTAATACTTGCTCCTCTGCTAACGATTCTACCAGACCTTCACTTCCAATCTCCACGAATTCC  
AATCCCAAAGCCCGCTTCGTCGCCCGGAGGAGCGAGTCCGTCACGGTTCGGCAGCTGGAACGGCCTCTAAAT  
GAGTATATGAGTTTGCCGGCTAGTCAGTACTCGGTGTTAGATGCGGAGAGGATTGAACGGATTGATGATTGT  
ACTTTTAGGTGTTATGTTTATAGATTTAAGTTCTTTGCTTTTGAGGTTTGCCCTGTTTTGGTTGTTAGAGTTGAA  
CTGCAGCCTAATGGATGCTGTATCAAGCTGCTTTCATGTAAGCTTGAGGGCTCCCAATTGTGGTTGCACAGA  
ATGATAAATTTGACGGACTGCTTTGACATTGATTTGGTGTGGAATGCAGCTTATATGGTGAACCAGATCTCTT  
ACGATGTGAATCGAGGCAACTCACCTTGAGAACTCACATCGGACACAGTCATTGAGGTAAATATCGAGAT  
TCCTTTGCGCTTCCGTGCAATTCCTGTACAAGCAATTGAATCAGCTGGGACCCAAGTTCTTGAACAAATATTGA  
AGCTTATGCTTCTCGCTTTATAGCCAGCTTGTGAAGGACTATCAAGCATGGGCCTCTGGTGATACATCAAGG  
CAACCTCTTGAACAGGTGAAATCTGAGATTTGTATCCAAAATCTATGCCAGATTTTCGACTCTCGAAGTCGT  
TTGTTTTCC

>trans\_c\_2930 NM\_001057988|Oryza sativa Japonica Group Os03g0780800 (Os03g0780800)  
mRNA, complete cds

ACTTTTGCCTCAACCCTTAAAAATCTCTTCTTCTCCCCCCCCGCACTCCGTCTCTCGATTTCAACATCAAACAAA  
ACAACCTCACCACCATTCAACCCATTCAAATTCATTATTCTTCAATCAATCAAATCAAATCCCCCTTCTTCTACA  
TTGCCTTCACTGCGCTTGGCCACTGGAATCTACCGACAGTTATCACAATGGTTTCGCAGCAATTTACTGTAGAT  
CTGAATAAACCACTTGTGTTCCAGGTTGGCCATCTTGAGAAGCATATCAAGAGTGGGTTACCAGCCTATTA  
TCAGCAAGGAAAGACCTCGATTCTTCAAAGCGACTTTTGGGAGTTCTGTACATGCACAGCATGGTGGGCGGT  
TCCACTCATATGGCTGCCAGTGGTCTGTTGGTTTGTTCATGTCTGTCAACATGGGGCAGACATTTTCTCAGAT  
ATCACTAATGGTGATCTTTGGCATTTCATTGGACATTGATTGAATACATAGTGCATCGTTTCCTATTCCATAT  
TGAAACCCAGAGTTATTGGGGAAATACCATGCATTACCTTATTCATGGTTGCCACCACAAGCACCCAATGGAT  
AGTCTGCGACTTGTTTTTCTCCTACTGCAACAGCTGTTCTGTTAGTTCGGTTATGGAACCTGGTTAAACTCTTTT  
TCCCATCATCTATGGCTCCTGCTCTGTTTGGAGGCGGGTTTTGGGTTATGTGATCTATGACGTTACTCACTACT  
ACTTGCATCATGGCCAACCCACAGGGGACATGCCAAAAAATTGAAGAAATATCATATGAATCATCACTTCCG  
CATCCTGAATAAAGGCTTCGGCGTCACTTCACCACTTTGGGACAGAGTATTTTGGACACTTCCTGGATCTAAAG  
TAGCT

>trans\_c\_2931 Novel Gene

GAAACCCATTTCTCAGAATCTGCAAAAACCCGCCCATCATCCTCGCCCCCTTTTTCGTGATAGGGCAACTTTTAA  
CTTTTCTTCTAATGGAGGTTTCTCCTCGCTGTAAACTTGGATACCCATTTTCTTCAACCTTTGATTTTCTTTCG  
GCGTTGTTCTTCTGGACTGTTGTGGTTCTATGGGTAAAGGGCGTGTCGTGGCATGAAGTTAGGACCGACCTC  
CACTATTGTGTTCAAATCTACACCACGCCAATTTACTGAGTTTGAGATTCATGATGAAGGCAATTTGGAAGATT  
ACCAAAATGTAGATGCTAGACTTTCAATATTAGAGTTGAAAATGGCCAATATGATTTCAATCTTGGAACAAAA  
CGGTTTCATGCAATCCAATAATCCGACTGCTAATACAAATGGAGATTTGCCATACTGTATATACAAAAATCCTG  
GACGTGTTTGTAGCATGAGATTACAACCAGCTTCGACTCAAGTTTTAGATCTATCTCACATCGGAATATTCGC  
AATGAGGCCCCGATGGATCAAAATGTAGATACTAGACTTTCAATACTAGAGACTCAAATGACCAAGGTAGTCT  
CGATCTTGCGACGAAACGGTCTCATGCAAGGCAACATATGAGCAGGGATCAACCACAAAAGTTTCAAGACAG  
GAATGGGGAGTTAACACACAAATGATGCTCACATGTTTCATGAAGTCAACTCAGCATCATCTTTCATGATATTTT  
AGTCTTATGTAAGGGTGAAAACAATTTGAGTTCCTAACTTTAGGGGTAAATATTGGTATTTTGTGTTAGTTTATTT  
TCTTTTGGGATGACATCATGTATTAGAGTATCGTCTATTTTCACCATTTTTGTGTTTGAACATCTCATAGATG  
GTAGTATTA

>trans\_c\_2932 Novel Gene

GGTTAGGCGAAACAAGTGGACTAATCCGTAATTTCAATAAATGACGCCATTGCCGCTTGCCGGCTGCTCATC  
TCTCTTCTCTCTTCACTCTCTCTCACTCCCATGTTTTGTTTCTTCTCTGTAGCTTCCCCACCGATTTTTTCTC  
TTCGATTTGAAGAATGTCTACACAAGAAGCTGCTTCTCAACCGGTTCTTCTTTGAGTATGAGCTTCTTGATG  
GTGATCCTGATCATGTTAGGACAGTGGTTGCTTCATCTAACTATTCAAGCCCTAGGATTGAACCTTCAAAGTT  
AAGCTTAGGCATCGAATTGGGCGAGGTGTATTTGGTGATGTTTGGTTAGCAACTCACCATCAGTCTACTAAGG  
ATTATGATGAGTACCATGAAGTTGCAGTGAAGATGTTGAATCCTGTTAAAGAAGATCATATGAGGGTTGTTTT  
GGATAAACTTGAGGATCATTTCTACAAGTGTCAAGCTGCAAAGGGTGTCTGCAGGTTGTATGGAGTGTCTATA  
ATTGGTGGGAAGTTATGCATCATCATGAAATTTACGAAGGATCAGTTGCTGATAAGATGGCTCGCCTTAAAG  
ATGGAAAGCTTCTCTCCCTGATGTATTGAGATATGGAATCAATCTAGCCCAGGGGATTCTTGAATTGCACTCA  
AAAGAAATCTTGTTCTTAACCTGAAACCTTCAAACATGCTCCTTACTACCAAGGACCAAGCAATTTTGGGAGA  
TGTCGGAATCCCTTTTCTACTGCACGGTGTACCGATACCAAATTCGGATATAATTCAGAGGCTTGGGACGCCTA

ACTATATGGCACCAGAACAATGGCAGCCAGAAGTTAGAGGTCCAATATCGTACGAACTGATTCCTTGGGGG  
TTTGCTTGCTGC

>trans\_c\_2933 X84319|*S.tuberosum* TYKY1 mRNA for NADH:ubiquinone oxidoreductase

TTTCAACAGAGAGAAGTATATTTGGGAATCCCTCCCTGTGAGTAGCGGTGAAAAACATTGGCTTCGCCATGGC  
TGCGATCTTAGCTCGGAAATCCCTTCTCGCTCTTCGTGCTCGTCAGCTTGCTGTCTCTGGGCAAACACTGCAAG  
GTTCTCCTTTTCATGGTCTCCAGTCAACACACTTGTACAGTACCAACAAAGATGATGAAGAAAGAGAGCAGCT  
TGCCAAGGAGATCTCGAAGGATTGGAGTTCTATTTTTGAGCGTAGCATAAACACACCCTTTCTCACTGAGATG  
GTCCGGGGTCTATCACTGACTCTTAAATACTTCTTTGAGAAAAAAGTCACTATCAATTATCCATTTGAGAAAGG  
CCCCTTAAGTCCTCGTTTTCGAGGTGAGCATGCCCTCCGACGATACCCTACTGGAGAAGAACGATGCATTGCA  
TGCAAACCTTTGTGAAGCTATTTGTCCTGCTCAAGCAATCACAATTGAGGCTGAGGAAAGGGAAGATGGTAGC  
CGTAGGACCACAAGGCATGCCCTGTTGACGCCATTGTTGAAGGACCAAACCTTTGAGTTTGCTACAGAGACTCA  
CGAGGAGCTTCTCTATGACAAAGAAAAGTTGCTCGAGAATGGAGACCGGTGGGAGACTGAGATTGCCGAGA  
ATCTTAGATCTGAAAGCCTCTATCGCTGATACATTACGGTGCAGTCTGGATTTGACTTTTCTCAGTGC GTTCAT  
AATAAGATAAACATGAGCATGTTGTTGAAATTCTTTCATATTCTTGGTACACGAGTTGAGAACACAAAACCTGT  
TGCTTATTACTGCCCCAGTTTGGGATTTTCTCAGAAATCTTTTGTTTTCTCCCNATAAAAATGGGAATTCTAT  
GGTTCCCATGTAGTT

>trans\_c\_2934 AY106629|*Zea mays* PCO088446 mRNA sequence

GAGGCTTTCATTTTTAAATTCAGGCTCAAAAACTTCTCCACTGTCTTAGCCTAGAAGGGTTTCTCTCGATTCTC  
TTCGACATCCCTCCGATCAATACTCTCCTTCTCCCAAGAATGAGTAGTCGTAATCCGGAGGTTCTATGGGCT  
CAGCGTTCGGATAGGGTTTATCTGACCGTTTCTTACCGGATGCCAAAGATATTTCTGTCAAGTGTGAACCTCA  
TGGGTTATTTAGCTTCTCTGCAAAGGGGTTGCAAGGTTTCATTTTTGACTTCACTTTGGAGCTCTTTGGCTCCAT  
TGTGCCGGAGGGCTGTAAACTAAGGTTAGCTTGAGGAACATAATTTGCTCCATCCAAAAAGAACAAAAAGG  
TTGGTGAAAAGGCTCTTGAAAACAGAAGAAAAACCTGCTCCATACTTGAAGGTTGACTGGAACAAATGGTG  
TGATGAAGACGAGTCAGACTCCGCTTTGACTTCTGATGACGAACTTGAATATATGGGCCAAGATGATGGAAG  
CGTTGAGGATGGAGGAATGCTCTATCTACCAGACTTAGAAAAGGCAAGAGGAACTAGGATAGACGGCTGT  
AAATAGCCAACAACCTGAAGGTGAAGTTTGTATAGTAATAGCCTAGAACAATTCGATTGCTTTCTTGATTGAGT  
TCTGTATCAAATCTGATTGGTGCTGATAAAGCTGTCTAACTTGGTATTTTTAAGCTGCACTTATACATTTGTAT  
GCTCTCTATTTGCTGATTTTGAGCCTCATTTTCATCAATTTCTCTTCGTTTTTCAAATATTCATGAACCTT  
CCTTTACATTTTAACTTTGAAATGGTGTCTGTATTTCTGCTATGGTGTTCACAGCATATGATACCAATATT  
GGGTAGATGT

>trans\_c\_2935 NM\_121980|*Arabidopsis thaliana* peroxisomal membrane 22 kDa family protein  
(AT5G19750) mRNA, complete cds

CAGCTACATTGTCTTCTGTGAAAATTCTGCCTGATTATCGCCGGCGACAGCCGAAATAAACAATCACCATTTC  
CTCCGTTCTATAATTTTTAAATCCTAGTGCTGAGCTCTGTTTTGCAAACCTCCTCTCCTTCAGTTCTCTTAGCT  
TTCTCATCGTCCACGACGGCGATGGTTCCCTGTGGCCTCACTCTTCTCTGAAACCTCCTATCCTTTGTA CTGT  
ATCAGTTTTAATGGCGGACACATTTAGCTTTGCGCCTCCAAGCTCCAATTCTTGAAACCCAGTTCAAATGAA  
GGGGA CTGTGTTCTTTCCGCCATAACCATCGATTGGATTTAATGATGTGGGTGCGCGTCAAATGCAATGT  
GGGTCGCTGAGATTTACGGATTTTCGGATTTAGCATCCTCTGGTGATGGCTCTGGCGATGGGTTTGGGCTGTG  
GAGCTGGCGATGGTGACATGGAGGTTATGGTCATGAAAATTCTGGAGGCGGAGAAGGAGATAGTGGCAA  
AGCGGGAATAACTGGACCTTCTGACTTGATATGTGACTCTTCTCCAAAATACCCTGCTTTGGTGAAATCTAT  
AACATCTGGAATACTAAATGCTCTGGGAGATTTAATATGCCAGATTGTTTTGAAGAAGCACCATCAGCAGAC

CTGAGAAGAACGTTTCAGATTTTCTCTTTGGGGCTTGTGTTAGTCAGTCCCGCATTGCATTTCTGGTACTTGTAT  
CTTAGTCAGTTGGTGAACCTGCCAGGGGCCTCAGGTGCATTCGTCCGACTTCTTCTCGATCAGTTCATTTTTACT  
CCGGTATTCTTGGGGACTTTCTAAGTGGATTAGTAACACTAGAAGGGCGTCCATCACATATTATTCCTAAACT  
TCAACACGA

>trans\_c\_2936 NM\_001049167 | *Oryza sativa Japonica Group* Os01g0257400 (Os01g0257400)  
mRNA, complete cds

TAGATACCATCACCCACCAGAATTGGTTACTTCGAGGCCAAGTGTTGTCCTTAGCCAACTAGGTCTTCTCTAC  
GCCCCGGGTGCACCACCTTGACTCACTTCATGCAACGAGGAATGTGCAAGTTTGGCCCCGCGTGCAAAATTTGA  
CCACTCAATGGATCGACTTAGTTACAGTCCATCTGCATCATCTCTTGCTGATATGCCAGTGGCACCCTACCCTGT  
GGGATCGGTAGCTGGTACTTTAGCCCCATCATCCTCATCCTCAGAGTTGAGGCCTGAACATTTTTCTGGATCCA  
GAAAGGATTCTAACCCTTCAAGAATGTCTTCATCAATGAGCACCTCTAGCGGATTGGTCGGTTCAACTACATCA  
AGGACAGAAATGCATTCTCTTTCAAGTGTTCAACGGTCTTCTCAAAGTTCTGGCCCGTCAGTGGGGAGTACCTC  
CAGCAGCACCAAGTGCAGGACGGTCGTACTTGAAGCTAAGCTCCCCAGGATCAAAACATCCTATTTTTTGCCCA  
AGCCCCAAAACCAAAGACCTTTTCTTTCTATTACAATGGTCCCATAGTCCAGGTCTAGCATACCTCACCTCTGA  
CCTTCTGTGTCCATACAATCCTTATATTTAAATTTATCTCAGCCTGAATAAGTTATGGTCAACCTAAAAGAATGT  
AGCAAAATTCGTACAGTTTTCTGCCTCTGCCTTATGAATAATCCTGAAAGCAGCGATAGCAATTAGGTACCTCT  
GCATCACAACTTCCTTTCTGGCGTTTGTCACTCATTTTTGCTGCTTTGATCAATCTTTTTCGAGACAAACAAAAT  
GGTCTGTTCCACGATGATTTCTTTCAAGCTATGCTCTGCTAATGCTATCTCTTCCCAGTTTTCTGTGACCAG  
GGCGCA

>trans\_c\_2937 NM\_118885 | *Arabidopsis thaliana* PPI1 (PROTON PUMP INTERACTOR 1); protein  
binding (PPI1) mRNA, complete cds

AAAGATGCTGCTGATGAATGGCCTGCACCTAAGCAAATCCATACCTTCTACTTCGTGAGGCATCGCGCGTACG  
ATGATCCGAATGTCAAGGCAAAAATTGATTTGGCTGACAAAGAGATACAGAAGAGGAGTCAAGCTCGGTTTC  
AAATCACTGAAGCACTGAAAGGAAAGAGGGGGGAACGAGCAGAGTTGATTACTCAGATGAAAGCTCTGAGA  
GATGACAACAGGCAATTTAAATCAATTGTTGACGAGAAAATTAAGGAGATCGAACCTCTTAATCAAGCTCTTG  
GCAAGCTCCGAAATGCAAACAATGCTGGTCGCAATGGTGGTTTATGTTTCATCTGAGGAAGAACTTAATGCTGT  
TATTCAGAGCCTGCAATACCATATACAACATGAAAGCATTCCGCTTTCTGAGGAAAAGCAAATTTTAAGAGAA  
ATTAACAGCTTGAAGGGACGAGGGAGAAAGTTATTGCTAATGCTGCTATGAGAGCAAAGCTTCAGGATTCTG  
ATGGTACAGAAAGAAGCCCTCCAAGATCAAGTCAAGATCATAGGTGGTGATTTGGATGGAGTGAGGAAGGA  
ACAACAAGCCGTTAGAGCCAAGATAAAGCAAACCTCGATGATGCCTTGAAGGCAATAGACAATGAAATTAAC  
TTTGAGGATGAGCTAATTCTGTTACAGAGAAGAGAGGCAGAGCCACGAAAGCATTACGCAACTTAGGAA  
GAACCGTGATGAGGGGAATGCCACTTTTATCAGAGCCGATCGCTCTTAACAAAGCCAGAGATCTTGCTGCA  
CAGAAGGACGTCAAGGCCCTTGAGGAGCTTGCTTTAATGAGGTTGAGAAGTTTATGTCTCTCTGGAATGGTG  
ATAAGGCTTTCAGGGATGATTATGAAAAA

>trans\_c\_2938 Novel Gene

AACTGCAATTCTACAGTGCAAGGATTATGTCCCCAGAAATCGTCGAGATTGGAGACGAAAGTAAGACGATTAT  
CAGTAGCAGAGACGGCGGTGCAACCGATGTTTACGTTGCCGTCGGTAAAGATGATATAGATGTGCTTAAATG  
GGTCCTTGATCATGCTGTCTACCCGGTTGTTGTGTCTTTCTTCTCCATGTTTTCCCTCCTCTCACCTACATCCCC  
ACACCAGTTGGAAGATTAGCAAAAAGCCAATTGAGCCAAGAACAATTGAGAGTGTATATCAATGAAGAAAAC  
AACAGAAGGAGAAATCTACTGCAAAAATACATCCGCTTATGCACTGATGCCAAGGTGACAGTGGACACATTG  
CTTCTGGAGGGCAACACGACAGCCAAAGCAATCCTTCAACTAATTCCAGTGCTCAATATACCAATTTGGTCAT



AGGGACCAAAAAGCCACTTTCCACAAAGCTACTGGGAAAAAGAATGACAAAAGGAGAGTTTGTGAAAAAGA  
ATGCACCAGAATATTGCGAGGTTACCATTGTTTATGAAGGGAAGAAAGTGAACGAGTGTCAACAGGAAATGG  
GGTTGCTTCCTTCTTCTAAAGTTTCTGATCTTCGACAGCGGCGGTCCGGGAAGAACTTGTTGAGTGTGTTGC  
TTGTCGAGCAAGTCGAGTTGCGATTAACAGGTTGTAGGTCCTGTTAAGGCAATGAAGAACACAACAAAGAAG  
AGGATCACCACCAATTTACTTTAATTTTTGGCTTTGTTTGTATAAATCAATTGACATTGTGATGAAGAAGGCTA  
AAAAGAATCCCAAATGAGCTAGCTTTAAGTGCAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAATAAAAAAAAAATAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2939 Novel Gene

AACAGAATATTCATCAGAAACGGAGATCTCGGGCGTATCAGTGGAAGAGACCAACCATGTTTCTTAAGGAAG  
GAGATTCAATTCCTCCCGATGTTGACCCGGAGACAATCAGGTGGATTCTGCAAACCATCCTTTTGCAACAACG  
GCTAGTGATATTGATGAAGATTGGCCTAGAACAAATGTCTACCAAAAGCATGGTGTTCTTTTCGTATTCAAGC  
GGAGCACGAGGCTTTGCAGAAAAAGCTTGAAGCACTTCAGAGTGAACAGAACTGAATAATTTATTTATAGA  
TCCTGGAAGTGTGAAGGAATTTGAGAGGCCTTTAAGTCAAAATCCAAGTCAGATGAACAAGTAGAACAAAG  
TTCTTCAGATCTCCAACTGGAGAGTCAAAGCCTCCAACTCTTTGGGGGTCAATCATCGTCCGATGAAGCAC  
AGAATCCTGAGGTGTAAGGTTTGCTGTATAAAATAGGGATTAGCTTGCAGTTTGCTACTAATACACACCACG  
AAGTTAGTTATTGAGAGGCCCTATTGTATAGTATGAATGCGTGCAGACTTGTTTCTTAGGTCATCCAGTTGTG  
AATCAACGGATTCTGTTGGAGACAACTTCTGAAGAATGCACTTCGTTGATTTGGGGGAATATAATAGCTTCT  
TGGAATAATATTATTGGTTAGTCGGATGCTGCCTCTTGCCCTTTCGCATTCATGAAATTAACGAAAATTTCTAC  
TTCTCTACTCCTTATTTTGATGAGGGGTTTCTTAGAATTAGTGTGTATATGTGGATGAGATGTGAACTTTTAA  
TTGTAGAATTTATTTGACCCTGTTTATTCAACGATAGGATGGGCTTGCTGCCCAATTATGGTACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2940 EU866498|Pseudotsuga menziesii isolate 32-4 locus Pm\_CL795Contig1 WD-40  
repeat family protein gene, partial cds

TCGAACAGGGGAGAAAAATATCATGTCTAGATAAGAGAAAGGAAAAGACTAATTGAAAATATTCTGTACAAAA  
TTGAAATAAATATACATATATGTAAGAAATGAAATGAATGGAACCAATCTGTTCAAAATGGACTGACCATATT  
CATTCCAACGCCCAACATGACACAAAAGACAGCAACATGAGGAAGGAGGTCAGAAAATGCGATGCACACCCA  
ACCACCCAAAGTATTTACTAAAAAGGAAAACCTTCAGGCAGACCTCTCCTTTTTTCTTTCTACTCTTTCCACCACC  
TTGATGAAGATAACCTTCAAAAACCAATTACAATTGTACATAATAGAGACCTTGTAATGGTTATGGTGTCTGCT  
TCTTTACTCTCGATTCTGTAGACATCATTCATTCATCAACCAAAAATCTGCTGCTCGCTTTGCTACATTCGAC  
TCTTAAACACTTGAACACAAAACTGGAAAAGGAACCAATACATAATTCTTTTCTTATATACAAATTCATC  
AATCAATCGGTCAGCAGCATCTGCTTCTCTTTTGCTTCACTTTGGACCATTGTTAACCATTCTTCTCACTTGT  
CTAGAAGATGGAATCTGTGTACTTATTATGATGACGTTTGTTGAACCTCATATACGCTACCATAGGTTGATCAG  
CGACACCAATGAATAGAGCTTCCGTGTCCGGACTGAAGGATATTCCGGCAATTTACCAAACAGATCAATTTCT  
TTGTGCTTGTGTTGAACCTGTGCGACTTTCTGTAATATGGACGAAATCTGCAGGCTCCGCTGTTGATAAGAATT  
TACCGTCGGAGCTGAATTTACACACCTGATTGCTCCCATCTTCCCTTGAGTACTGCTAAGGACTTGGACGTA  
TTCCTTATG

>trans\_c\_2941 NM\_115169|Arabidopsis thaliana UPL7; ubiquitin-protein ligase (UPL7) mRNA,  
complete cds

ACTGAAGAATCATTTGGCAAACGACATGTTATTGAGCTTAAACATGGTGGCAAGGATATTTCTGTTACAAATG  
AGAATAAGATGCAGTATGTTTCATGCTATTGCTGATTATAAACTTAATCGACAGATATTGCCTTTCTCAAATGCG  
TTTTATAGAGGTTTAACTGATCTTATATCATCGTCTTGGTTGAAGTTATTTAATGCAAGTGAATTCAATCAGTTG

CTTTCAGGAGGAAACCATGATATTGACGTCAATGATTTGAGGAATAATACACGATATACAGGTGGTTACACAG  
AGGGCAGCCGAACAATTAGTATTTTTTGGGAGGTCATTAAAGGATTTGAACCAAAGATCGATGCTTGCTTCT  
TAAATTTGTCACCAGTTGTTCTCGAGCTCCATTACTTGATTCAAATACCTGCAACCAGCTTTTACCATTCATAA  
GGTTTCATGTGACGTACCTATTTGGGCTTCAATAGGAGGACAGGATGTCGAGCGGCTTCCAACCTGCTTCCACT  
TGCTATAATACTCTCAAGCTTCTACGTACAAACGTTCAAGTACTTTGAGATCAAACTTCTCTACGCAATCAAT  
TCCAACCTCAGGATTCGAACTTTCTTAATGTACCTGATACCAGAAAATCTGACTTGGAGCAACATAACTCATCAA  
TTATGCATTATTTGTCTTCCTCGCCTCACTTTGGGCAGGGCGACAACCTGATTTGGTCCAAACCTACATCTAATTA  
TTTATTAGTTCATTAAAAAATGTGAGTGATAATTGTTCTCGTTTCAAATCTGTGGCACATCTAAGGCCGCTGTT  
CTTTTGATATCATCTATCTTATCTATCTTCGGCTACGCCACAGTTTTAGCCTGTTGGGAGGAAACGTCTGAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_2942 XM\_002869159|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata carbonic anhydrase family protein,  
mRNA

AATTGAATAGTGAATATAAGAATCTTCTCAAGAAAGTCCGATTATTTTCAGTTGGGTAAGGCGGGAACCGAAA  
TGGGTCGATCAATTCGCCCAAGAGCTTTCTGGGGTCTCCTGATTTTCGAAATGGTTGCGATTAGACCGACTTT  
AATTCACAAGAATCCATTCTTTTCTCATCCTTTTCAGTTGGGAGAAGCTCTCTTCTGTGAAGGAAGAACTG  
ACGAAACACAACCTGGAAGTGCCTTCTAATCGTATTACGAGTTGGAGGTGAAAAATGTGGCTAAATCGAAAG  
ATGAGCATAAGCTGTTTGATGAAATGCGAAGGAGATTTTTGAGTTTCAAGAAGCACAAAGTATTTGGAGCATT  
GGAGCATTTCAGCTCTTGCAAGCTGCAAGCCCCTAAGTTCATGGTGATTTCTTGTGTGGATTCTAGAGTAT  
ACCCATCCAATATCCTTGATTTCAACCTGGAGAAGCTTTCATGGTTCGTAACGTAGCAAACATTGTTCCGCCA  
TGGGAGAATGGACCAATTGAAACCAATGCAGCTCTTGAATTTGCGGTGAACACACTTGAAGTTGAGAACATTT  
TAGTCATTGGCCACAGCAGCTGTGCTGGAATTCAGAGCCTTATGAGCATGCAAGATAATGCAACTGACTCAAG  
CTTTGTTTATAAGTGGGTGGTGAATGCAAAAGCATCTAAATTAAGGGCAAAGCTGCTGCTGCACATCTTAGT  
TTTGACCAGCAATGTAAACATTGTGAGAAGGAATCAATCAACCTTTCATTGAAAACTTGATGTCGTACCCATG  
GATCGAAGAAAAGGTAAACAGGATTTGATTTTCTGTCATGGAGGATACTATGATTTCTTGAATGTACATTT  
GAGAAGTGGAGTCTTGAT

>trans\_c\_2943 NM\_001066316|Oryza sativa Japonica Group Os07g0516200 (Os07g0516200)  
mRNA, complete cds

AGTGCGAAGAGTGAGGACACCTACACCGGGACGATCAGGGAGATAAGCGATGGCTTGGTGTGCGACTCGGT  
CCTTTCACATGCCGGCGTTTCGACGTCACTGCACTACGCTCCAAGACTCCCTTGGCCGTCGGCGTTGGTTGTGTA  
TCGGTGGCCGGAACACCTTGTGGCGGTCTTCTCAACTTCCAAGCGTCAAATTCCTTCGCCTCCCTCGGCAT  
TTCCACCAGTTCTAGTATCAAGGAAGCTGTTCAAGTACGAGGCTCCAGCGGCATTAGGGCCATATTCTCAG  
GCTATCAAAGCCAACAACCTTCTTTGTGTCTGGTGCCCTAGGTCTAAATCCTGAGACAGGGAAATTTGTCTC  
AGATAACGTTGAAGACCAAACGGAGCAGGTCCTGAAAAATATGGACGAAATATTGAAAGCTGGAGGTGCCA  
GCTATTCTTCTGTGGTTAAGACGACTATTATGTTGGCTGATCTGAAGGATTTCAAGAAAGTTAACGAGATATAT  
GGTAAATATTTCCGTCCCCTGCTCCAGCTCGGTCGACATATCAGGTTGCAGCATTGCCTTTGGATGCTAAGGT  
CGAAATTGAATGCATCGCTACACTTTGAAGGCCTCTGACCTAATTTAGGTACCCAGTTTTCAAGACAGAGTA  
AATTAATAAAATGGAGATATCAATCACAGCACAGGAATTCTGGATCTTGTTTTCACTTAGGCTTTTCTTGTTATA  
GTATCGTAAGTGGGTGACATGAACATTAAAGTTAAACGTGCTTTTTACCATTGAAAAATCAAAGTTAGATAAAC  
CATTTTGATTGATGAGATTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2944 AY243478|Citrus sinensis allene oxide synthase (AOS) mRNA, complete cds

ATTCATAACAAACAACAACACAAAACCAAACACTCTCCTTTTTCTCTGAATCAAACCTACCCTTTCAGAGAATTT  
TTGGCGAGAAATGTCCTCCATTGTCATTCTTCTTTCAACCTCACTTGCGATTCCCATCCTCGCAAGAAACGCC  
TCAAAGATCTCGTTCTAGAGTTGGCTTCGTTTCCATACGTCCAATCTACGCCGCCGACGGAGTTTCTTCCTCGTC  
TTCTTCCTCTCTTCAAGTGCCGCAGCGGATTGTTTCGCCGCCGGAACCCACCAAGCTTCCTTTGAGGAAGGTTT  
CCGGTGATTATGGGCCACCGATGTTTGGGGCGTTGAAGGACAGACATGATTATTTTTATAATCAGGGGAGGG  
AAGAGTATTTGAAATCTCGAATGCTCCGGTATGAATCCACCGTGTATAGAACTAATATGCCGCCGGGTCCATT  
ATCACTTCCGATTCCCAGATTGTTGTTTTACTCGACGGGAAGAGTTTTCTGTTCTTTTCGACCATTCTAAAGTT  
GAGAAGAAAGATCTCTTTACCGGAACCTTACATGCCTGTAAACAGAGCTCACCGGCGGTTACAGGGTGCTTTCTT  
ATATTGACCCATCTGAGCCCGATCACGCTAAGCTTAAACAGTTGATTTTCTTCTCCTCAAGCACCGCCGGGAT  
AAAATTATGCCGGAATTTCACTCTACTTTTTCTGAGCTATTGAGACTCTGGAAAAGGATTTGGCTGCTGCTGG  
TAGAGCAGAGTACAATGCTTCCGGTGAACAAGCGGCGTTTAAATTTCTTGGCTCGGTCTCTTTTCGGCGCTGATC  
CGGTAGATTCCAAATTGGGTCTGATGCGCCGAAATTGATAGCGAAATGGGTCTTATTCCAGCTTTGGCCTGT  
TCTGAGTCT

>trans\_c\_2945 XM\_002310380|Populus trichocarpa glutaredoxin (PtrGrx2), mRNA

ATACCGCAATTACCCTCCATTATCTCTCTCTCAAAATTGGATCTTTTTCTTTACCAAATTTGCAATAATAATGCAC  
CAAGCAATTCCGTACCGGACGTGGATTCCGGCCCGCGTTCCTCCTCCCGCAAGGCGCACGAGCCTTCCGGCG  
ATGGGGTTGAAAAATTAGTGTCCAAAAACGCCGTTGTGGTTCTTGCGAGGCGTGGGTGTTGTATGAGCCATG  
TTTTGAAACTGTTGTTGTTGGGCCACGGTACGAACCCGGCGGTTGTCGTGGTTGGTGAAGAAGATGAAGTCG  
ATACTACCGGGGAGATTGGAAATTTGCCTCCGCCGCTGGAGATGGAAGAGTGCAGTTTCCGGTGGTGTTTAT  
TGGAGGGAAGATGTTTGGTGGGTGGAAAAAGTGATGGCGGCTCATATTTCCGGTGAATTGGTACCGGCGTT  
AAAAGATGCCGGTGCTTTGTGGCTGTGATTTTGAATAAAAAACAAAATCTAGTAAAGTATATTGCCGATGGC  
TTAAATTAATTTTCGATCTCAGATACCCTCCGAGAGTGGATGCAGAGGAGAATTTTTTAAAGTTTATCACATAT  
GAAATTTTTCTTTGAAATTTGATCCTAGAGGAGAGGCAGATTTGGTAGCTGAGATTTAAAAAATCTTGTAAT  
TATTTTGAGTTTTCATTTAATAATTATTAATAGCCCACTAACTTTTTTTTTAATCACTACATTTGAGAATATATA  
TATATATATATTTGTCTAATTTATAGATTTGTCGATGTAAAAATAAATTGATTACTTATCTTTTTCTCCTACGTGA  
CATTAGAGGGACCGGCCATATCAATCAAAATATTGTTGTGTGTGTGTGACTTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2946 AY052357|Arabidopsis thaliana At2g46420/F11C10.11 mRNA, complete cds

CGTAACAAAATCCATGTTCAACATTTTCTTCTCCTTTCTTCCATTTGATTTTATTTTATTCTCTTTCGTTTTCTTT  
TTTCTCTCGCTACTTCGGCTTCCGATGGAGGATTTCTTTTCGTTATCGTCTTTTGCTACTAAGCTTTGAGTAAATC  
TCAGCTGCGAAGTTCAGTGCCATTTCTGTTCAATCCGTATCAATTCGCGTTTCAGAGCTCTTTTCTGGAGC  
TTACGTTACTAAATTTGTCGACACTAAGCATTTTCAACGACTGTTGGAATCTTGTTTGCAGGCGAATAATCAAG  
CCTACAAGAGCTATACCTATGCATATAACCACGTTTGTCTGTCAGCCTTTGCTGTGCTTAAAGAGTTCCTAAAT  
TGTATAGAGAGATGTGATCATTCTGCTTCAACTGATATGAAGACGGCACAGAGAGCTCAAGATACAAAAAAA  
GCTTTGGATGAAACTGAAAATAACCTACCAAACAACAAAACCTGAGGCTCCTATAACAGACGCAGGTTTCAGTAT  
CTGGCTCAAACAATGATGGCAAAAAAGTTTCTACCAAGATATTGAATTTGTCCAGAATTTAATAGAGCGGTG  
CCTACAATTGTATATGAATAGAGATGAGGTAGTTAAGACCCTGCTGAATCGTGCAAGGATAGATCCTGGATTT  
ACGTCATTAGTTTGGCAGAAGCTGGAAGAAGAGAATGCTGATTTTTTTCAGAGCTTATTACATAAGGTTAAAT  
TGAAAAAGCAAATCCTCCTTTTTAATCATTTGCTTGAAACATCATACCGTCTCATGAACTATTCCATGCCTCCCA  
AAGTTCCATTAGCTCCTATGCAGAATGGAATTCATCCTATATCTGTTAACAACCTACCCATGGGATATCCAGTCTT  
TTC

>trans\_c\_2947 XM\_002877880|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata chloroplast lumen common family protein, mRNA

ACAGCTGCTCGAAGGTAAACAGCCGTGGAGTCTCTCCCTCACTTCACCACCGTCGTTTTCTTCTACCAACTC  
CTTTCCTTCAGCCACCGTCTCTCCTCCTTCTCTAAACCCATTTCTTCTCTCCCTTCCGCTCTCCGCCCGGTCTCG  
CCTCCGTTCTGTCTGTCAGGTCGTTGCGTGTTAAAGCCTCATCCTCTTCATCGACCTCCGACGATACCACCTCTCC  
TAACGGCGGCCTTCTATCGGGATTTCTCAAACCGCTTGATCTCCGTTGCCGTTGCTGCATTTTTCTTTCATCG  
CTTCGACTATCGACGCTTTGTTGCTGTTGCTGTCCAGGTGGCGCCGAGACGACGGAGTCTACTGATGAATCG  
ACGGAATATGAGGAAAATGAGAGCGTTGTAGAAGAGAAACGGGCTGATGATTGCAATGATGTGCAAGCTCT  
TCGATCTCTCGTTGAGGAGAGTGTGAAATCAGGTAAACTCCCAGAAGCAGTTGAAGCCCTAAACCGTTTGATT  
GAACTTGAACCAATGACGTTGAGTTGCCTATGTTAAGGGCTAATTTCCATAGCTATATGGGGGAGCTTGAAT  
TGGCGAAAAATGAATTTGAGGAGATTTAGCGAAAGACCCACTTCGCGTTGAGGCTTATCATGGACTTGCAAT  
GGTGGCGTAGCAACTGAATGATAATTCATTGAAGGACGTTACTAANAGGATCGAAGAAGCAATGGAGAAAT  
GCAAGAACCAGAAGGACAAGTCAGATATAAGGGATTTCAAGCTCTTGGTCGCGCAAATTAAGGTAATGGAAG  
GGAGTTATCTTGATGCGTTGAAAGCTTATCAAGAACTGTGAGGGAGGAGCCAAGGGATTTTAGGCCATATCT  
ATGTCAGGGGATCAT

>trans\_c\_2948 FJ915827|Jatropha curcas universal stress protein mRNA, complete cds

ATGGTGGAGTCTCTTCCCCTTGAATTCCGCTTCCTTCTTCAAGATTCTCTCATTATGAAAGAAAAACCAAGCT  
TTCCGACATTCATTCCATTCTTCTTCTTCCAAAAAGCTCAAACGCACTGAAAATCCCAACCCACAAAAAGCAT  
GGACGGTCAACGGAGAGTCGGCGTCGCGGTGATTCTCTGCCTGCAGCATTAAAGCCCTCAAATGGGCCAT  
CGACAACGTTGTCCGAAGGGCGATTACCTTGTTCTCATCGCCGTTCTGTCGGAAGGCGATTATGAAGACGGC  
GAGATGCAGCTCTGGCAAACACCGGATCTCCGCTTATTCTTTGATTGAATTTTCCGATCCGAACACTATGAG  
GAAGTACGGGATTAAGCCTGATGCTGAAACTCTGGATATTGTGACAACGGCGGCTGCTCAGAAGGAGATCAC  
TGTTTTGCTTAAGATTTATTGGGGAGATGCTCGTGAGAAGATTTGTGAAGCAATTGATAATATTCCTATTACTT  
GTCTCATCATTGGGAACAGAGGTCTTGGCAAACCTTAAGAGGGCCATATTGGGGAGTGTAAGCAACTATGTAG  
TGAACAATGGTTCGTGTCCAGTCACTGTGGTGAAGAAAGCAGATCATGAGAACTGATCATCCCAACCCAACAA  
CACTCTTTAAATCTACACTTCCCCATTCAAATTTTCTGATTGTTTTTGTGAATTTGGTAATGTATATGTTGATGA  
TGGTTTGTCTTAAGTATTTGACGTGTTGTTAAACGTTTGTTAAATAACGAGTGTTTTTATGGGCTGTTATTG  
GAATGGTTTATAGGCTGTTTGGGTGTGTTCTGAAAACAATTTCTGTTCAATAACAAATTAGTAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2949 NM\_202510|Arabidopsis thaliana transcription factor (AT3G06590) mRNA,  
complete cds

AACTACAAATTTCCCTTCTTCATCTTCTTCCCCCCCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCACACCACTTGCAAGA  
AGACGCCATAAGAACGTGTTCCATTTATTTCTTCTTCAATTTCAACCATCTCTCTCTTTTCCCTCTCCTTAATCTCT  
AATTCAATCTTCTTCATAGTCTATCTTTCTTCTTCACTACAAGGAATCCCCTCAAGGAATTCGTTGTGTTAA  
TTTAGAGGAGGGAAATTGGATTATGGGTTTGATGATCTTTGAATCATTGATTTATTGAGGGAATCAATTTTTTG  
TTTTCTGAAGATCGGATCGGTGCGTCTTGATGGCGTCATCTGTTCTTTCGAACTCCGATCGTGACGGGAGTCT  
TCTTCGAGGAAGCAAAAGAAGAAGAAAAGCCATGGCAATAGAGATCATCATCAAAGCCAGAATCATCATATT  
AAATGGAAATCTCAAGCTCAACAGGAAATTTACTCATCCAAGCTAGTGCGAGCATTGAATCAAGTCAGACTCA  
GTCCTTCAAACGAGGCGCCGCCACGCCGCGCAGAGCTGTACGTGAAGCCGCCGATAGAGTCCTTGCCGTTG  
CCGCCAAGGGGAGAACTAGATGGAGTCGAGCCATATTAACGAACAGGTTGAAGCTGAAGTTTAGGAAGGCG  
CCAAGGAGACAGAGATCAACATCCAGCGCTGGAACAACCGCTCAAAGAAACCTAGAGTCAGCGTATTGCGG  
TTGAGAGGGAAATCCTTGCCGGCGGTACAAAGGAAAGTTAGGGTCCTTGGTCGGCTGGTTCCCGGTTGCCGG

AAAGAACCATTGCCGGGTATTCTGGAAGAAGCTACCGATTACATAGCTGCACTTGAAAAGCAAGTTCGGGCC  
ATGAGTGCCCTTGC

>trans\_c\_2950 AB488807|Glycine max GmATG3a mRNA for autophagy protein ATG3, complete cds

ACGTTTCTCCGTTGAAGCCCAAATTTGGGTCATCTCCCCCATAGCCCAATTCGGTGGTCGATCAGAGTCAAGC  
TTCTGCCGGGGGATTTC AATCTTCTCTTCCAATTTCCAATTTCCAATTTCTCAATTTTTTCCATCTGGACTTGTCC  
AATTCAACCCAGATTTGAGATCATGGTTTTATCCCAGAAGCTTCACGAGGCCTTCAAAGGAACTGTTGAGAGG  
ATCACCGGACCTCGAACCGTCTCCGCTTCAAAGAGAAAGGCGTTCTCAGTGTTTCTGAGTTCATCATCGCCGG  
TGATAATCTTGTCTCCAAGTGTCCACCTGGTCTTGGGAGTCAGGTGATCTGAACAAGAGGAAATCATATCTG  
CCCCCAGATAAGCAATCTTGATTACCAGAAATGTTCTTGCCTGCGCCGGGCTGCCCTATAGAAGAGGAGT  
ATGAAGCTGCAGGTGGTGAAGTTCTTCTTGATAATGAAGATGGTGTATGGCTGGCTGGCGACCCATGGGAAAC  
CAAAGGAAGAAAAAAGTGATGAAGAGGAAAACCTGCCTTCCTTAGAAGCTCTTGAAATCAGCAGGACCAAGG  
TTGTTAAGTCAATTCCAACTATTTTGGTGGTGAAGATGAAGACGATGTTCTGACCTGGATGATATCGAAGA  
AACTGACAATGTTGTTGGAAGTATGCAGCCACTCTGCCATTGACCTATCAAATTGCCACGAACCTGATGAC  
GATAATATCCTACGAACACGAACCTTATGATGTCAGCATCACGTATGATAAATATTATCAGACACCACGTGTTTG  
GCTTACGGGATATGATGAGTCAAGGATGCTCTTACAGTCAGAACTTGTTCTTGAAGATGTTAGTCAAGATCAT  
GCTCGAAAAACAGTGA

>trans\_c\_2951 EF363796|Cucumis sativus phospholipase D mRNA, complete cds

CAGCAGGCCAGGCGTTTCATGATTTACGTCCACACCAAAATGATGATTGTTGATGATGAGTACATAATTGTTG  
GATCGGCAAACATCAACCAAAGATCCATGGATGGTGCAAGGGACTCCGAGATAGCAATGGGCGCTTATCAGC  
CCTATCATCTCTCAGCTCGTGAACCTGCACGTGGTCAAGTCCACGGATTCCGTATGGCTCTATGGTATGAACAT  
CTCGGTATGCTTGATGAACTTTCCTTCGTCCAGAAAGTGAAGAATGTATTGCAAAGGTAAACAGAATTGCCG  
ATAAGTATTGGGATATGTATTCAAGTGAATCACTTGAAAGAGACTTGCCCGGTCACCTCCTCCGCTATCCGGTT  
GGCATATCCAGCGAAGGAGAAGTCACCGAACTCCAGGCTTTGAGTTCTTCCCCGACACCAAAGCTCGTATAC  
TCGGTACCAAATCCGACTACCTCCCTCCCATCCTCACTACCTAAGTCATTTTCCTCCGCTAGCTGCTTCCCCCATC  
TTATTCCAAAGGTTATTATTCAAACCTACTTGCTAATGTCACTTTGGCTTTGTTTCTTTGCTTGAGGCTTACCCTT  
CAAAACACTATCCCCTAATGTAATTTTGGGTTTTTGGCTTCTAGTTTTGGGGTTTACTAAGCTTATATAATGCA  
ACTTTGGCTGGGTTTTTCTTGATCTTCTGCCATTTGTTTGCTTCTAAATTGACCGTCATTTCCAAATTAGCTCATC  
TGTCTTGTAATGTTTTATATATTTATTTCTTTATCATATATTGAATATTCTCACTTAATTATTAATATGAGTTA  
AATTACAGTCTTGGTTGCGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_2952 NM\_116011|Arabidopsis thaliana BRH1 (BRASSINOSTEROID-RESPONSIVE RING-H2);  
protein binding / zinc ion binding (BRH1) mRNA, complete cds

CCTCATTCCCTCGTTTGGGACCCTCCTTCCTCGCCGCCGCCGCTTTACGGCGTCACCACCGTCCACTTTCATATTT  
TCCGGCCATCATTTCTGTCTTCTACACTCATCATTCTCTTTCTATAATTACACAAATTTATTCTCATCCATGAACC  
GCCGCATAATCCCCTTTCTCTTTGCTGTTCCACAAACAGAACCGGAACCGGAACCTCTCTCTCACCGACCGCC  
ATGGGCTATCCCGTAGGCTACGCCGACGTGTTTTTCCCCAACGCCTTTCTCCATCTCCTCTTCTCCTCGGTTAC  
ATCCGAAGCCTCATTGTTTCGCTCTTTCAATTTCTAGGGCTTTCCGATTTTCTCGAATCCAACGTCGTTTGGCCC  
GAAAATCCGACCTCCATTTTCCACGATCGATCCGTATCCACCATCCTCATCGAGGAATTCGTCCCCGTCGTAA  
GTTACCGACATCATCGCCGCCGTCGAGTTTCCACCGGAATGTTGCGCCGTTTGTCTTTGCGAGTTTTCACGACG  
ATGAGGAGGTTAGGTTTCTGAAAACTGTAAACACGTTTTTATAAAGAATGTTTGGATCGATGGATGATTTCG  
CGACCAGAGAAGCTGTCCTCTATGTAGAACCCTAATCGTGCCGGAGGAGTCGATTCTCCGCTAATGGATTTT

>trans\_c\_2953 AB426520|Rosa hybrid cultivar mRNA for beta-glucosidase, complete cds

>trans\_c\_2954 GU238259|Cucumis sativus 6,7-dimethyl-8-ribityllumazine synthase gene, complete cds

>trans\_c\_2955 XM\_002867996|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA recognition motif-containing protein, mRNA

TTCGTGCCATAGCGATTTTTCTCTCATCAGAGGCGACGAAGACTTGTCGCCACTGAGGGGGAAATCCTATATTC  
AGTATCAAATTTCCGTTCTTAATTTGTTTAGGTTTCAATTTCCGGCGATCGTCGGTCGATTCTTCTCCGTTCC  
GGCGATTTTATCTTCTCATTTCCAGCGATGTCGATTAAGACTGTCAAAGTCAGCAATGTCTCCCTTGGAGCGT  
CTGAACGAGATATCAAGGAGTTCCTTTCTTTCTGGTGACATTGAATATCTTGAAATGCAGAGTGAAACTGAA  
CGGTCTCAAACGCTTACGTAACATTTAAGGACGCGCAAGGGGCAGAGACTGCCGTTCTTTGTCCGGAGCAA  
CTATAGTGGATCTTTCTGTCAACATTACTTTGTGTCCCATTATGAGCTCCCTCCTGAAGCTACCGCACCACTC

CTGCCCCTGGAACATAACCACCTGGTGCTGCTGAATCTGCCTTTCGGAAAGCAGAGGATGTGGTTAGCGGGAT  
GCTAGCCAAGGGCTTTATCTTGGGCAAAGATGCACTCAACTCAGCTAAGGCATTGATGAGAAACACCAAGTTA  
ACTTCCACGGCTTCTGCTAAAGTTGCTACATTGGATAAAAAAATTGGGTTCACTGAGAAAATTAGCGCTGGTA  
CATCGTTGGTGAGCGACAAAGTTCGGGAAGTAGACCAGAAGTTTCAGGTTTCTGAGAAGACAAAATCTGCAT  
TTGCAGTTGCAGAAGAAAAAGTTAGCAATGCTGGATCTGCCATTATGAAAAACCGATATGTAATGAGCGGGA  
CTAGCTGGGTTGCTGATACTTTTCAATAAGGTAGCCAAAGCAGCTGGAGAAGTTGGTCAAAAAACAAAAAG  
AAAGTTGTGGTGACG

>trans\_c\_2956 FN356965|Phaseolus vulgaris mRNA for inositol monophosphatase (IMP gene)

GTTGGAAGCTGCCACTCTCTGAGATGTTATGTCAAATCTTTTCCAGAGGGATCAAACACGAGTCCACCAGCTT  
CTGTACAAATCACGGCACCGCCAGCAACATCCCATGGGCCTCCAAAACCGGTTTCGAAAAATATATCGATCCTT  
CCACATGCTACTCCACAGAGGTTCAAGTGCACAGGAACCACTCATCCGACTGATATCACCTTTAAAAGTAAAC  
GATTAATTCTATCTGTGGTAGCATCTACAGTCAACTTGTACGTTTGGTTCCTACCTCAGTTGCAAGAAGAGAC  
TTCAACAATTCATCTTGAGAGGATACTTTTATAGGCCTACAATTAAGAAAGGCACCTTTTCTCGAATTCCAGT  
AAAAAGCTCATCAATGATTGGATTGTAGACAACTCCAAGTGTGGGAACCTTTCCAATGGTCAAACCAATAGAA  
ACACACACAAAAGGAACCCATGAACAAAGTTAGTTGTTCCATCAAGAGGATCAACAATCCATGTTGGTTCAT  
CAGTTAACTCAGTATGACCATAAGCAGCAGTTGTTTCTTCCAATGAAGTGTGTGAGGGATAATGCTCTTGA  
GATGATTAAATATTAATCTTCACAAGCCTTGTCAAGTTTCGGTGACCAAATCAACCTGGCCTTTGTGCTCAATAT  
TATTGTCAGATAGAATCCCTTACGAATTATCTCTCCAGCTTTCTTGGCGGCAGCTACTGCAGTTGCAAGGTATT  
CCTCGAGAGACACATTTCCGCCATTATTGCTTCTTTGATGTTTTATCTTCCCAAGAAAGGTTGCAGTAAGGAG  
AGAGGAGATCAGAGTGTGATGATTCGATCAAACAGAAGAAAGAAGAACATGTGAAGGAGAAAAGTGGCTA  
CAGAAATTCTGAT

>trans\_c\_2957 AY108050|Zea mays PCO134180 mRNA sequence

TGGACGATGGAAGAACAAAGGTCACCAATGAGGGGTTGCAACAAGGTTATTGTGTTGTGCCAGCTCTAAGA  
GATTCATTCTTCTATATTCCTTCTTGAAGAAAAATTTATCTAAGAAAGTAATGGTCTTCTTCTCATCTTGTAAGT  
TGTGAAATTCCATGCGGACCTTCTTAGATATATTAAGGTGCAATGCATGGATATCCATGGAAAGCAAAAGCAG  
CAGAAGAGAACTTCTACCTTCTTTCTTTCATCAAGGCCAGACTGGTATCCTACTATGTACTGATGTTGCTGCA  
CGTGGACTTGATATACCTGCTGTGCGATTGGATTGTGCAATACGATCCTCCAGATGAACCAAGGAATATATTCA  
CAGAGTTGGTGAACAGCTCGAGGGGAAGGTAGCAAAGGAAATGCCCTACTTTTCTTGATTCTGAAGAGCT  
TCAATTTCTTCGCTATCTGAAGGCAGCAAAAGTTCCAGTCAAAGAGTATGAGTTCAGCGATAAGAACTGGCC  
AACGTGCAATCTCATCTGGAGAACTGGTTGGGAGCAATTATTATTTGAACAAGTCGGCTAAGGATGCTTATA  
GATCCTATATATTAGCTTACAATTCACACTCAATGAAAGATATTTTCAATGTCCACCGCCTTGATCTGCAGGGTA  
TTGCTGCTTCATTCTGCTTTTCAACCCTCCGAAGGTGAACCTTAACATTGACAGCAGTGCCTCAAAATTCAGG  
AAGAAAACGCGTAAAGTAGAAGGCGTCAACAACAGATTCAATAAGAGCAAGAAAGAGGGAGATGACAGACA  
ATTCGTAAGATACTAAGCTCAACTCAACCGCTGCTAGTCGATGAAATTTACTTTAAATTTCTTTATAGTTGAGG  
AAATTTTACATT

>trans\_c\_2958 AY056797|Arabidopsis thaliana AT3g25910/MPE11\_6 mRNA, complete cds

ATTGCTGAAGAAGCTGCCCTAGATCGAGCTTCCATTGTCTGAGCAATTCATCATCATCGTTTTCTTTCCTTGTTT  
CCTTCTTCCCATTGATAAGATTATTTATCTTCACTCACAATCTCTGGATTCCGTTTCTTTAATCCCTTTT  
CTCTTTGGATTGCTCAGCACTTTAGAGCTCTTTTATCTATTTAGAAGATTCATCATGCCAAAGGAGAGAAGAGA  
TCGCTCTGCATCTCATGATAGGTATAGAGCATCTCCATTCAAGTTCAGCTCCAGCCGTCCTATACGATCTTCACC  
TAAACTGCCATTGGGAAGTGAGGATAATTTGAGAGAGTGGGAAGAAGTTAGATGCCCTGTCTGCATGGAACA

TCCTCATAATGCAGTTCTTCTCATATGTTTCGTCCTCATGAAAAGGGTTGCCGTCCTTACATGTGTGATACTAGTCG  
TCGCCACTCAAATTGCCTAGATCAATTCTGCAAGTTGTTTTTCAGAACTTCAACAGTAATGCCAGTGCCAGAAG  
ACGTTCAACTCCCAACAGTGAACCTTTCACCAACAATGGAATCTGAGCCCGTGGTTGATGATACACCAGAGGT  
TCAAAGTGAGGAGATTGAACCTTCTGTGCACCTTCATCTTGTGAGAATCAGATGCCTCCAAAGCTGGTATGCC  
CTTTATGCCGAGGGAAGATAAAAAAGTGGGTGCTTGATGACCATGCTCGTCAGTTCATGAATGCAAAATCAA  
GAAGTTGTTCTGTGAGACATGTAGTTTCAGTGGAACCTATACAGATCTTAGGAAGCATGCAAGGAAGGAGC  
ATCCTCTTGTGCGTCCATCTGAAGTAGACCCTGAACGGCAGCATAATTGGAGACGGCTTGAGCGACTCGTCCA  
GCTCTGTCCC

>trans\_c\_2959 NM\_001185496|Oryza sativa Japonica Group Os01g0565650 (Os01g0565650)  
mRNA, complete cds

ATTACAGAATGAATGCAACGTTGAATTCTGGAATTGTTTTCTCTGAAGACATAGTCGATGGTAGTGATTCCGA  
TACGAATTCAGCTGAAGGATCGGATTACTACGAGCCGATCTCGGCCATTGATGGTGAAGAATCCGATATAGCT  
GAATCAGAGGACGAAACCTACAGCTCTGATACTCATTTCCACCAGTTACCTAACGGATGCGGTGTAGAGAATG  
CAGTTTCGTCTCTTACCTTGAACGACGATGTGGAGAGAAGGTGTAGCGATGACGAAGAGGAGGAGAGGATG  
AGAGAGGCTTCTGATTGGCGGATAAGAATGGCGTTTAGAGAGGATGAACTCGGCGGAATGCACCGCTGTCC  
CTGGAGAATACAACGAGAATTATGGAGGCCATGCGGGGCATCTCGTTTGGTGGCTCTGCTCCAGATTGGACT  
CGGATTGTTTCGGAGGATCGTTGGATTGATCAGCTTCGAAGGCTTAGGCAAACGCCTACTGTTTCCAATAGTA  
TCAGGAACTGATAAACGGAACGTTTGGCATTTCAAATTCAGATCCCTTCTTCTTTTTCTTCTTCTTCATCATCA  
TTCCTTTTGGTTGTTAAAGAATTATCCCATTGACTCTCTGGATTATCCTCATGAATAAAGGATCCTTCTGGGTTT  
TGATTCACGAACAGTTCCTCCATTTCTCAATCCTACCCGATTTCTCCATATATCATAAATTGAATGTCATTCAA  
CATATGCTTAGAACGAGTTTAAAGATTCAAATTTGTGGTTTCTGATNGAGTAATCTTGAAAGAATTCCAGCCA  
TGACCTTTCATGAGCTGCTTGCTTGATAAAGCTCTTGAAGCACGATGTACTGATTTCTGTCAACCCGGCTAGAA  
CCTGATGATGAAA

>trans\_c\_2960 NM\_101573|Arabidopsis thaliana cell cycle control protein-related (AT1G17130)  
mRNA, complete cds

CTCTTTTCACTCAGCCGTTGAAGAACCAGAAGCCCTAATCCCATTGCAAGTCTGCAACTTTCGTCTTCTGGCCT  
CCCTTCTCTCTCGGAGTGATACACCTTCTCCTTTCCCTTTGAAGTGAGATAAAATGGGTGAGAGGAAGGTGCT  
TAACAAATACTACCCACCGGATTTTGATCCGTCAAAGCTACCAAGGGTTCGTAGACCCAAAAACCAGCAAATG  
AAGGTTTCGTATGATGCTTCCTATGAGCATCCGGTGCAATACTTGTGGTAATTACATATACAAGGGCACAAAGT  
TCAATTCTCGCAAGGAGGACGTCATTGGTGAGACATATTTGGGAATTCAAATTTTAGGTTCTACTTCAAGTGT  
ACCAGATGTTCTGCTGAGCTTACCATTAAAACAGACCCCCAAAACCTCAGACTACGTTGTAGAATCAGGAGCCA  
CACGTAATTTGAACCATGGCGTGAGGAAGATGAAGCTTCTGAGAAGGAGAAACACAAAAGGAATGCGGAA  
GAGATGGGGGACCCAATGAAATCTTTGGAGAATAGAACCTTGGATTCCAAACGGGAGATGGACATTCTTGCT  
GCTTTGGATGAGATGAAGTCTATGAAGTCGAGACACGCAACTGTGAGTATTGATTCAATGCTTGTGGCTTTGC  
AACGAACTGCTGCTGAAAAGGAAAAGAAGTTAGAAGAAGAAGATGAAGCACTGATAAAATCAATAGTCTTCA  
ATAACTCAAACAGTTATGTTAGAAGAATTTAGATGATGAATTTGATGATGGTAGTCATTCTGTTTCAGCATTTG  
ACCAACAATGATATAGCATCGGACTTTAAAGCAAAGAAGCTAAGGGTTTCTGAAGGATCCCCTCATGATCCTA  
CCAGTACTTCAACAAAAG

>trans\_c\_2961 AB426519|Rosa x damascena mRNA for phenylacetaldehyde reductase, complete  
cds



GAGGTCGAAGAAAATGAGCGGCGAAGCAGCGAAGACTGTGTGCGTCACTGGTGGCTCTGGATACATAGCTT  
CTTGGATTGTTAAATTCCTTCTCCAACGAGGTTACATCGTCAAAGCCAGTGTTGCGAAATCCAGCTGATCCAATC  
AAAACGCCCCATTTGCTTTCACTGGATGGAGCTGCTGAGAGACTTCATCTCTTTAAAGCCAATCTCCTAGAAGA  
AGGTTCTTTGATTCTGCTATTGAGGGTTGTCAAGGGGTTTTTCATACTGCTTCTCCCTTTTTCCATAATGTTTCA  
GATCCTCAGGCTGAACTTATTGATCCTGCATTGAAAGGGACACTGAACGTTCTAAAGTCAGTAGCAAAATCGT  
CATCTGTCAAGCGAGTTGTCTTGACATCTTCTATGGCTGCTGTTGCTTATAATGGACAGCCTCGCAATCCTGAT  
ACAGTAATTGATGAACTTGGTTTTCTAACCTGAGATTTGTAAGGAACTGAAGCTTTGGTATGTGCTCTCCAA  
AACTTTAGCCGAGGAGGCAGCCTGGAATTTGTAAAGAGAAAAGGGAATAGATATGATTACAATAAACCCGGC  
TATGGTTATTGGTCCATTATTGCAGCCAACACTGAATACTAGTGCCGAAGCTATTTTGAACCTAATATCCGGAG  
CACAAACATTTCCAAATCCACATTTGGATGGGTTAATGTCAAAGATGTTGCTAATGCACACATTCTAGCTTAT  
GAGGTTCCATCAGCCAATGGAAGATACTGTCTGGTTGAAAGCGTGATTCACTATTAGGAATTTGTCAGATAT  
TGCATGATCTCTACCTTCACTTCACTCCAGACAAGTGTGCTGATGACAAACGTTTACACTCGTGTATCAAGTC  
TCAGTTGAGAA

>trans\_c\_2962 EU716314|Camellia sinensis histone H1-like protein (H1) mRNA, complete cds

ATATTCGATAAGCGTTTGCGTCTTGAAAATTTTGATCATGACATCGACGGGAGAAGCTGCAGAAGTGAAAGTT  
CCGGCGGAGGATGTTGCTCCTGTGGAGGTTGTTCCGGCTACGGAGGAGCCGAAGGAGGTAGAGAAGCCGGT  
GAAGGAGAAGAAACCTAGAGCTCCGAGGGAGAAGAAGCCTAGACAGTCTAAAGTTGCTTCACATCCACCGTA  
TTTTCAGATGATCAATGAAGCAATCTCGTCACTCAACGAGAAGAATGGATCGAGTCCGTACGCCATAGCGAAA  
TACATGGAGGAAAAACACAAGGCGGTTCTTCCAGCGAATTTAGGAAAAATATTGGCTCTTCAATTGAAGAATT  
CCACAGCTAAAGGAAAATTGACGAAGATCAAGGCATCGTATAAGCTCTCCGAAATAGGAAAGAAAAAAGATA  
AGAACGCAACGAAAGTCGAAAAGCGAACGCCGAGAAGATAACAAAACAGGCGAGAACGACGAGAACTACT  
GGAAGGAAGAGGAAGGCGGTGAAGAAGGAGGAGGCGGTGAGTAAGGCGGTGAAGAAGGTTGTTGCAAG  
AAACCGAAAAGGTCTACTCCGGCGAAGCCGAAACAGCCGAAATCAATTAAGTCTCCTGCAGCGAAGAGGGCT  
AAAAAAGCGGTTGTGTGAAATGTAGAGCAGAGTTTAAACAAGTTTGTGTTTGAATCCTCTTCTGTGAATATCTT  
GGTTAAGAATTACGATCATGTAGTGTGTAGATCTATTTTAGTGTTTTGCTTCATCTGCAATGAAAATAAATCCT  
TTCTTGTTATGAATTTCAATGTTCTTGATACGATACATTTTAGGGATCTCCGATTTGCTGTTTGAATTAGAAAT  
AAGAAGAAATGAATGGAAACCAATG

>trans\_c\_2963 Novel Gene

ATATTTGCAAAACCCTTCCCTCTCTTTAGGGTTGGTGTTAGGGTTTTGATTCATTTTTTTTCTTCTGTTTCTTT  
TGAGTATTTAGATTCTATGACCTTATCGTTTTAGACATATTCTTTCGATTTTGTTTTGAGCTCATTAGTTTATT  
GTGGATCTTGATCTGGGTTTATTACCAATGGATACGCGCAAGAGAGGAAGGCCCGAGGTTGGATTAAATGCT  
AATGGCGGCTTGAAGAAGTCCAAGCAAGAAATGGAGTACTTATCAACTAGTGTAGCAAGCAAATCGAAGCCA  
TGCACCAAATTTTACAGCACTACTGGCTGCCCCGTTTGGTGAAGCATGTCAATTCCTGCATTATGTTCTGGCGG  
TTATAACGCGGTTGCGCAAATGATGAACCTACCACCTGCTCCTCCAGCACCTAGAAATATGAGGGCACCCCT  
CCAATGTCGAATGGCTCAGCCACGCAGGTTGTTAAAGTCGTATGTGCAACAAGTATAACTCTGCTGAAGGCT  
GCAAATTTGGTGACAAGTGCCATTTTGCCACGCAGAATGGGAACCTGAAAAGCCTTCAGCTCCATCTCACGA  
CGATCCTCGGTCCATGGGACATATCCAAATCGTTTAGCCAATAGGATGGATGCAGCTCCACCAGCCCTTGCA  
GCCAGCTTTGGTGCCTCTTCCACGGCAAAGATTAGCGTAGATGCTTCCCCGGCTGGAGCCATTATAGGAAAG  
GTGGCATTAAATCCAAGCAGATTTGTCGTCGTACAGGAGCCAACTTTCCATTAGGGACCATGAATCAGATCC  
CAACCTCAGAAATATTGAACTTGAGGGGTCGTTGACCAGATTAAGGAAGCAAGCGCAATGGTACAGGAGCT  
TATCGTGACAGTTT

>trans\_c\_2964 NM\_120469|Arabidopsis thaliana electron carrier (AT5G03880) mRNA, complete cds

AGATATATGAGTTTGAGAGTTGTCCATTTTGTCTGGAAGGTCAGGGAAATTGTTGCTGTGTTAGATTTAGATAT  
TCTATTCTATCCTTGCCCTCGGAATGGTCCAACTTCCGTCCCAAAGTTCTTCAGATGGGAGGAAAGCAGCAGT  
TTCCATACATGGTTGATCCAAACACAGGAGTTTCAATGTATGAATCAGATGACATAATCAAGTATCTGGTTCAG  
AACTATGGTGATGGAAATGTACCTTTTTCTCTCTCTCTGGACTTTTGACGACATTGTCAGAAGGCTTTGCTATG  
ATTGGTCGTCCGGGCAGGGGTTCTATCTATAAGCCATCAAAGCTTCCACCTGCTCCACTAGAAATATGGGCAT  
ATGAGGGTTCTCCTTTTTGCAAACCTGTTTCGTGAAGTGCTTGTAGAGTTGGAGTTACCACATTTAGTACGTTGT  
TGCGCTCGTGGCAGCCCAAACGTCAACAGTTGTATGAGAAAGAGGGACACTTTCAGGTTCCATACTTAGATG  
ACCCCAACACAGGGGTGCGCATGTTTGAGAGTGCTGAAATTGTGGAGTATCTTCAAGCAACTTATGCTCTTTA  
GCGAGCCATCCTTCCAACCTATTTCCAAGGTAGGGGCCTATGTAGCTCTAATGGAATCCTTTACCCACATCAC  
ATAAAGGAACCTTCTGCCTTTCATTGAGACCTTGAGATATCAGCCATATGATTCCCGAACCTTCAAGTCGATG  
CGTAAGTGAATGTCCTATATTATTTACTCTGAGACTCCCAAAAATGATCTATACTCAATGTCTGGTCTATAACA  
ATATCAACTGCTACTATTCGTATACCATAGGTATACTCTTCGCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_2965 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

AATTGACTTTATTTCAACTATCAAAAAGTCACTTTCCAATATTACTAATAAGAATGGAAAGATCTTTTTGGACTT  
ATCATACTTGTGCAAGCATATTTATTTTACAAATTATCACAACACAAATTATTAATTTATCTAAGTTAAGACC  
TGTCTTTCAATATCACGGAACATCTCGTTTTCTTAAGAATGAAATAGAGGATTATTTTGTGAAGTTGTTGGAG  
CACACGAAATATTACATTCCGACCTAAAACAAAATAATCTTGAAAATTCTGGAATGAGAAATCAATGGAAAAA  
CTGGTTAAGGGGTCATTATAACTTGGATTATATCCGATTAGATGGTCAAAATTACTCCCCAAAAATGGCGAA  
ATAGAGTTAAGCAAGATCGTAAAAATAAAGATTTTAACCAATGTTTTTCAGATGAAAAAACCATTAAATTGCT  
TACAAAAAACAAAATCATTTTGAAATAGACGACTCATTACCAAAAAAAAAAAGATAAGAAAAATAAAAAATAT  
ATATATGATTGTTTATCATATAAATCTATTAATTATGAAGATAATAAAGATTCATATATTGTTGAATTACCAGTA  
GAAGTAAAAATAATCAAGAAAGTTCTTATAAGTACAACACGGATAAATGTAAATTTATTGATATACTGACTG  
ATATCCTTATCAATAATTATCTACGAGAAGATGATATTATAGATCTGGAAAAACTATGGATAGAAAAATTTTT  
GATTGGAGAATGCTGCATTTTTCTATTAATAAAGGTCGATATTCGATCCTGGATCCATATTGAGGCTGACAC  
GAACAGTAAGAAAGATACTATAACTGGGGTTAATCATTTTTCACTAATTAAAAAAATAAATAAGAACATTTTG  
TTTATCT

>trans\_c\_2966 AY104684|Zea mays PCO071606 mRNA sequence

ACGCTCAATTGCCTAAGCGCTTTGAAGGCTTGGAGGGTCTTCTCAGCTGGTGGACCTGGAAAGGGGATGTA  
CTCTCGGCTGTATCTTCAGGTCTTAAATGAGTATCCACAGGTCCAATCGATTCAGCATTGAGCAGTATTTACA  
ACAATAGTGGCTTATTTGGCATCAAAGGAACCTACTGGTTCTGATTTGTTCCAAAAGCCTTTGATATTGCTGCT  
AGCGAGCTGTTAGCTATTGCAACTCCTGGAAGGTTCAACAAGTGCAGCTAGACCGTGCCAAACAGTCAACAA  
AGTCAGCTGTGCTAATGAATTTGGAATCCAGGGTGGTTGCTTCGGAGGACATAGCCCGACAAGTTTGGACATA  
TGGTGAACGGAAACCTGTGGAACATTTCTTGAAAGCTGTGGACGAAGTAACTCTGGACGATGTAGCTTCAATT  
GCACAAAACTTCTCTCATCTCCATTGACAATGGCCTCATATGGCGATGTTATTCATGTTCCAAGCTATGATTCT  
GTCAGCAGCAAGTTTAAAGTCAAAGTGATTGATCTTTTTCTATGAACAAATAAAATTAGTCCCCAGACGGAACAT  
AGAAATTGCTATCTTCAAGCCTTGTAAGTGTCTTCTGAAAAATAAGACAAAGTATAAAGATCCAGTTTATCTCA  
ATAATTGGTAAATTTGAGCAAGCCCCCTTTTGTCAATACCCGATCTCTATTTGATGGTATGTTTTGTTCCATCTA  
TCTAATAGTAAAGTATTCTTCAGTTAACAGTTCATCTTGAAGAAAGTTCATGTTCTGAAAGCAATTCAGAAT

GTTTGTATTTTGGAAACATTGNCATTTGCGCGGCCTCTGAGCACAATCTGAGTTGATTTTTTTTTTATCTTTAATA  
ATAAAGTGC

>trans\_c\_2967 AY129468|Arabidopsis thaliana At2g25900/F17H15.7 mRNA, complete cds

AGTAACCGACCGCGGTTGAAAACCAAAAATCCCTCCACCCTCTCTCCGGCTTCCGTCTCAAAAACCTGGCACTT  
CCCATCCCATCTTCAAAAACCCCTTCCACTCCATTTCTCTCTCACAACCTCACCATGATCGCCGAATCAATGCTCCTC  
AATCCCACGGCTCACATTTCAACCTGGGACTCCCTCGACGATCCCTCCGCCGCAATCTCTTCTATTTCTCCGCC  
GGCCACGTGTCCCCCTCGATTCCCCAACGGCGGCGCTCATGGATTCGATTCCTCCTTATGGGAAGATCCTGA  
CTTGCCGGCGCCTGTGGACGGCTTCTCGTGTGACCAAGTCCGGATGTATGAGTTCAAAGTCCGCTCGTGCGCT  
CGTGGCAGGTGCGACGATTGGACCAAATGTCCGTACGCTCACACCGGCGAGAAGGCTCGCCGCCGAGATCCC  
AGGAAGTTCAACTATTCAGGCGCCGAGTGCCCGGATTTACGTCATGGGTGTTGTAAAAAGGGAGATGCCTGC  
GAGTACGCTCATGGAACCTTCGAAATTTGGCTCCACCCAGACCGATACCGGACACAACCTTGCCGTGACGGAA  
CTGGCTGTGACGGCGGGTCTGTTTCTCGCCACACGTCGGAGCAACTCCGGATTCCGGGGAAACAAAGTGT  
CAGGTCTCCACGGGCGAGAGAAATCGCTGTCCCTGCTGTGTCATCGCCGACGTCGATCCTGTTATCGCCGTCT  
TCGGACTCGCCGCCTCTGTCTCCAATCAGCCCTGTAATCAGTGGCGGCGAATCATTAGCCGATTAGTTGCATT  
GATGCACAGCCTCCGCCTGGATGAATTAACAAATCCTGGAGTCTCCAGCTTCAGTCCAAATCTCCGTGCGGA  
ACTCGGGTGCATT

>trans\_c\_2968 NM\_121973|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT5G19680)  
mRNA, complete cds

AGAATTCCTATTTCCCAATCAATCAAGCGCAAAGCAGAAGCTCCATTTTTCCGCGAACCAAGCTTCAGCTTCAA  
GCTTCTTTTCGCCGTCTACGTCTCAAGTTTTCGCATGGCCGCCGTAAGCGAACCATCGCCGGTTTCGGAATCGAA  
GGAGGATGATCTTAATTCTACGGTCTTGATCTCACCAGCTATCAGCTCCATGACCTCGACTCTATCGAGTTGC  
CTTCGAGTTTAACGGAATTGGACCTGACTGCGAATCGACTTACGAATTTGGACCCTCGGATTGGAGAGCTCTC  
GAACCTGAAGAAGCTCTCTCTTCGTCAGAATCTCATCAATAATGCTGCTGTTGAATCGCTATCTCGCTGGAACG  
CACTGTGAGGTCTCGAGGAACTTATTCTCAGAGACAATCAAATGACGAAGATACCTGATGCGAGCATATTCA  
AGAGGCTTTTGGTATTTTGATGTTTCTTTCAACGAAATCACTTCGTTACATGGCTTGTGACGGTCTCCAATAC  
ACTGAAGGAACCTTATGTATCAAAGAATGAAGTTAGTAAAATGGAAGAGCTAGATCACTTCCTTCAGTTGCAG  
ATTCTTGAGCTTGGTTCCAATAGACTGCGGGTAATGGAGAATATGGAAAACCTAACCAATTTACAAGAGCTAT  
GGTTAGGGCGTAACCGAATTAAGGCAGTAAACCTTTGTGGACTGAAATGTCTCAAGAAAATTAGTTTGCAA  
GCAACCGTTTGACTTCAATGACAGGATTTGAAGACTGTGTTGCTTTGGAAGAACTGTATCTAAGCCATAATGG  
AATTTCAAAAATTGAAGGTGTTTCGACCTTAGTCAATCTACGGATATTGGATGTCTCATCAATAAGCTAACGA  
GTGTGAGTGACAT

>trans\_c\_2969 XM\_002325088|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAGGACACCCAAAAATGGCAGAGCCGTCGTCGGAGTCATCATCATGGGCGGAGCTGACTCACGAGTGTCTAA  
CCAACATCCTCTCTCGTCTAACCATCGAGCAGCGGTGGCGCGGCCCTATGCTCGTTTGCAAACATTGGTTCCGC  
GCCGCTAGGGACCTTCTCTCTTTTCTCACTTCGATCTCGAACCCAGGTTTCGAGTCTGCCCCACCGAGTCTCCG  
GCCTGGTGGTTGCCGGAGTTGACACCAAGATTGATTCCATGCTCCGATCTGCCGTCCGTTGGAGCCTTGGATC  
TCTTTCAGTTATTCGGGTTAGACACTGCTCCGATTCTTCTCTCGATTCGTCGCTCAAGGGTGCCCAAACCTTGA  
GGTCTTTCCATCAAGAGCTGCGCCAATGTTACTGATAGCTCAATGGCTAAGATTGCTTTTGGCTGCCAAAAGC  
TCCGGGAAGTAGATATTAGCTATTGTCATGAAATCTCGAACATATCTTTGGCATTAAATCGGCAGGCATTGTCCA  
AATATCAAGACTCTAAACGAAACTATTTTAAACATCTAGATCCTTCCCAACACAAGGGAATTGTCCCTGACAA  
TTATCTAGATGCCTGCCACAAGATGTGGATTGAGAAGCTGCAGCTATTGCAAAATTCATGCACAACCTGCAG

>trans\_c\_2970 BT024494|Arabidopsis thaliana At5g40550 mRNA, complete cds

>trans\_c\_2971 EF532409|Nicotiana tabacum chilling-responsive protein mRNA, complete cds

AGTGGCAACAGAGGCATTTTCGTTCCAACCTGCCCTCGCTACCTTTTCATCTGATTTTCTCTCATGCTTCTCCATG  
CTCAAATTCTCTATGGCTCCAATACTTTTCTTCTGCTTTTGGTGTCTTCGCTCATCCGGGAGATGCTTATTCTT  
CACCGACCCAATCCTTCGCATCTGCGGTTATATTCCAAAAGGGTCTTGATTTTCTCAAAGACTTGTTCAAGACA  
AGGCAATTTCTTCTTTGATTCCGATTCATTTGCCTCAATCCAAAAAACCCTCAAATCCCATTGTGTTGGAACG  
TTCATATGGTGTATCCAACACTACCATATACCAAGTCGATGTACCTTCATCGAATGTCAAACCTGGTGAGTCG  
GGTGTTTCTATTGTTGCTTCAGGAACCTACCTGCGACTTGAGCATGGATTGGCGTTATTCCTATAGTACTTGGCT  
TGTTCCAGCGGAAATTTCTGATAAAGGACAGGCTTCTGTTCCAGGTCAATGGTATGGAAGTTCGACTTACTTTA

GGATTGGAGCTTCAATAAGAAACGCTAAAACTATTTCTTCTTGGGTGCGGTTGTTCTGTCCAAGATATATCTAT  
AAAGTTGGATGGAGGAGCATCTTGGCTTTATCAAGGGCAAATTTTATGAAATGGAGTATGAATAAAGTGCCC  
AACCAGCTGCTTCTAAACACTGCTGGATGGAGATTTGTTGTTCCCCAACTTTACAAGAAATATCCTAATGCTGA  
CATGACCTTGAATATCTTTTTACCTTGTCCACCAGTCGTAAGCATCTCAGAGCACCATATTGTTGCAACCACGAA  
CGTAGACATGATAATTGATGTAGTAGAAGGAGGTGATCAAATACCAGTCGCTTGCATCTCACTATTGGGTCAT  
GCCTC

>trans\_c\_2973 GQ150167|Solanum lycopersicum myo-inositol oxygenase (MIOX) mRNA, complete  
cds

TTTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTACGTAATTTTCAGTTGAGGACTCGGAGAGTAACCAAATCTCCGGCAAGGACTTGT  
CTCCGCCATTATATAAAACCCCGAATTCTGAGTTCAAAACTCACAATACCAAAGTTATTAATCCAAAATCTCATT  
CGGCCAATACTTCTCTTCGTCTCTCCATCCTTTTCTTCTTCATTGCGAGAATGACGATCCTCGTCCCTCAGCG  
CCAATTCGCATCGGAGGCTGGGACTCAGGCGATCTCCTTGATAGTAACGAGTTGGTATTGGACGGTGGATT  
TATAAATCCTAAATCTTCACCAAACGACGCCGTTTCTTGGCCCCGAAATCAACTCCTTTGGCCATTCAATCAG  
GGATTACGATAATGCAGAAAGTGTAAGGCAAAAGACAGTTGAAGAACTCTACCGCTTGAACCACATCAACCA  
AACATATGATTTTGTAAGAGAATGAGAGAAGAATATGGGAAATTGGACAAGACAGAAATGAGCATATGGA  
AATGTTGTGAGATGCTGAATGAAGTGGTTGATGATAGTGATCCAGATTTGGATGAGCCTCAGATTCAACATT  
GCTTCAATCTGCTGAAGCCATTAGAAAAGACTATCCCGATGAAGATTGGCTCCACTTGACTGCTCTCATTCATG  
ATCTTGAAAGGTTCTTATGCTTCCTGCCTTTGGAGGGCTTCCACAATGGGCTGTTGTTGGTGATACATATCCT  
CTTGTTGTGCTTTTGACAAATCCATTGTCCATCACAAGTACTTCAAAGACAATATAGACAGCTATAATCCAGC  
TTACAACACAAAGTATGGAATCTATTCTCCCGGTTGTGGACTCGACAATGTAGTAATCTCTTGGGGCCACGAT  
GACTACATGT

>trans\_c\_2974 EU931224|Rheum australe O-linked GlcNAc transferase-like protein mRNA,  
complete cds

CACTCCATTGCAGCTACTAGATCCAAAGAGCCGGCCGGCGACGGAAGTGGGCCGAGAGGGTGGTTGCTTTAG  
TTGAAATTTCTTTGTAATTCTCAATCCCAATTTCTCGGCCACTCTCTAAATTTGCGGAACATGGTGAGTAAAGCA  
GAGGAGGCCGAGTTGAATAGACTCGAAACTCAGGTCGATAATGGTGGTGGAGGTGCTTGGGACTACCTTTGC  
CTCATCAGGAAGCTCAAGGTTGCGCGTTCTCATAAGGTCTTAACTATGGATTGTCGATCTTGAATGATTCCAG  
AAAGCGATCCGGTCTCGGCCAAGAGGAGTGACCCTGTACGAACAGGTAACAATTGCAGCATTGGACTGCCA  
AGCCATAGATGTTGCAAAGGACTGCATAAAAGTTCTTCAGAAGAAATTTCCGCAAAGTAAAAGAGTTGGGAG  
GCTAGAGGCTATGTTGCTTGAAGCAAAGGGATTGTGGGCTGAGGCAGAAAAGGCTTATGCTAGTCTTCTAGA  
AGAAAATCCATGTGATCAAATAGTACATAAAAGAAGGGTTGCTCTGGCTAAAGCACAAAGGCAACATTGCTGG  
GGCTATTGAATGGCTTAACAAATATCTTGAACATTTATGGCTGATCATGATGCTTGGAGAGAACTGGCTGAA  
CTATATATCTCTCTCAAATGTACAAGCAAGCAGTTTTTGTCTACGAGGAGCTGATACTATCCCAACCCACAGT  
TCCTCTGTTTCACTTAGCTTATGCAGATGTACTTTACACATTAGGCGGCCTAGAAAACCTTCAGACAGCAAAGA  
AATACTACGCATCTACTATAGACTTGACTGGGGGCAAGAATACCAGAGCTTTGTTTGGCATTGCTTGTGTACA  
TCTGCCATTGCGCAATTT

>trans\_c\_2975 AJ538741|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BC4-M44-010

ACCTCTTACGTGTACGCAAAGTCCGTTTTCACTTCTTCTTTTCACTATTCATATTCTTCCAAATATTTCTCTCAA  
TCTGCTTCCATGGCTGCGCCCGCGCTCCGTTCACTATCAATTCGCTCCTCCTTGCCCCGACGTTCCCCACGA  
TCGCCGTCTCTTTCGTTTCCCTTCCCAAACCTTAAGCCTGCCGATTCGGAAACTACCCCAAAGATCGTTCTGCG  
CCTCGTTTATGCACTCTCAGATCCTTCGGATCCGATCCGCTCGTTCCTATCAAGACTAAGAGAGTATCTACTCGA

GACGATGCTTCAAACGACGAAGTTTCTCCGTTCTTCGTGACTCTGTCGGAGTACATCGAGAGTTCGAAGGATA  
GCCATGAATTCGAGATCATCTCCGGCCGCCTCGCTATGATTGTGTTTGCGGCGACTGTAACAATGGAGGTAGT  
CACCGGAAATTCAGTATTCAGAAAGATGGATCTGGAAGGGATTGAGGAAGCATTAGGAGTATGTTTGGGGG  
CCGTTACCCTGGCGGCCATTTTCGCTTTCTCCTCCAACGCTCGAAACAGAGTAGGTGAATCTTCAGCATCAGC  
TGCAATACCTTCATCGATTGCTTATTGATCAGATCGTCGACGGTCTTTTCTACGAAAACGACACCGGCGATTG  
GTCCGACGACACTCGAATGCTCCGGCGTTGGAAACAGAGAGGTAAGTAATTTGTGTATATAAATTATTAAATA  
CAAGTGGAATTGAAATACATTCAATTCAACGGTGTAAGTAATTTATGCATACGTATATAGATGAACCTCATCTG  
AATTGAGAAAGAATCTGAAATAGCTAAAGGGTTGAGTAATTTTGATTATGTTTGTATTCTAAGCCCCACTAT  
TTCATG

>trans\_c\_2976 XM\_002302114|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC029),  
mRNA

TCCTCATTACTTGTTTTGACCAAACAACCTTCACTCCCCCTCATCTCTCTCCCTCTCCCTCTCTCTCTAGGGCGGT  
CTTTGACCGTCTCCGGTGATCGGACATCTCAGCTCCGTCCAATTTCAACTGGGGTTTTTGTAGATTCATCGATT  
TCGGAACGAATTTCTTACCCTCGCTGTCGATTTTGTCGAGGATTTGAGCCTTGGTTTCTTCATTTTGATT  
CGTGGTGTTCTTTGATGTCAACGGCGTCGTCTTGAAGGGTTTGTGTGACGAGGGAGATTGGCCACCAGGGT  
TTCGGTTTTACCCGACGGATGAGGAGCTGATTCTGTATTACTTGAAGTTCAAGATCTGTAGACGCAAATTGAA  
GCTTGATATCATCCGTGAGACCGATGTTTATAAGTGGGAACCCGACGAATTGCCTGGTCAATCTAAGTTAAAA  
ACTGGTGATAGACAATGGTTCTTTTTCAGTCTAGGGAACGTAGGTACCCAAATGCATCAAGATTGAGTAGAG  
CTACAAGATCTGGCTACTGGAAGGCCACAGGAAAGGATCGAATAATACAGTGCAATTCACGTAATGTTGGAG  
TGAAGAAGACACTGGTGTTCTATCTAGGTCGTGCTCCTAATGGTGAGCGTACTGACTGGGTATGCACGAGTA  
TACCTTGGATGAAGATGAGCTTAAGAGGTGTAAGAATGTAAAGGATTACTATGCGCTCTACAACTTTATAAG  
AAAAGTGGACCTGNGCCAAAGAATGATGAGCAATATGGAGCACCATTAGAGAAGAAGATTGGGTGATGA  
TGCTGATTGTCTGGAGCCACAAGTGAACACAGTTGATGAGGTTGATTCTGTAGTTCGTGAAAGAGATAATGGT  
CAAATTCAGCTTTCA

>trans\_c\_2977 XM\_002314602|Populus trichocarpa actin related protein (ARP905), mRNA

AGGACGAACGCCTTCGCCATGGATTACCTGAAATCAGTTGTCCCTTCACACTTATTGCCGAACGGGGTTCAA  
ATTTAGTAGTCATAAACCTCGATCTGCAAATATTAGGATTGGCCTTGCATCACAGGATGCTCCTTTTAAATGTT  
CCCATTCATTGCTCGTTATACCAATCAAATCCCCAAGAGAAATGTTCAAGATCAGATGCTTAATTCACAAGTT  
ACAACTGCACAGCACATGGAGCGGGAGAGGGCATATGATGTTATTGCCTCGTTGCTGAAAATACCGTTTCTGG  
ATGAAGAGGTTGCTAACAGTTCTTTCCCCCGTAAGATGGGGCGAGTTGATGGACATGGTATGCATAATGGCA  
AAAAGGATACTGTCTTTAGTTGACTGACGTACATGAGAGGAACCCTACTTCGCCAGTGGCAGTGGAAGTTC  
AAGCTCCAAGGATGTGAACCATGAGCCTTTGGACCACTGCGTAGATACTGATTCCAAGGAGCTTACTTCTAGT  
GTAATCAAATATAAACAGTTTATTTGCGGTGAGGATGCTCTTAAAATATCACCCAGTGAGCCATATTGCCTGCA  
CCGTCTATTTCGAGAGGTCACTTGAATATCTCACAGCAATACCCTACTCAACAGGTACTTGAGGACTTGCGATG  
TTATTTGGGACTGGATTTTGATAGAAAAATTGCATATTCCTCATAGTGAAAGAACTTGATTCTGCTATTCTG  
GTGGTCCCAGAAACATTTGACAACCGTGAAATAAAGGAAATGTTGACAATAGTATTGCGAGATTTGCGGTTTG  
GTTGAGCAGTGGTTTCATCAGGAAGGGCTTGCTGCAGTTTTTGGGGATGGACTATCATCAGCATGTTGTGTAA  
CGTGGGAGCACAG

>trans\_c\_2978 BT025762|Arabidopsis thaliana At4g33625 mRNA, complete cds

AAAAGTTCATTGATTCAATCATCATACCAATCAGTGAGGACATGGAGAGAAATGGAGAGGGGGCACCGGCA  
GCGTCATCGTCATCGTCATCGTCGTCTTCTCAGATCACCAGACCTAGAAGAAGTGTGGACCCTTTGCTTGT

GACTTGCAGGTTTTTCAGTGTTATAACAGCTCTCACTGCTATTCTCTGTATAGTTTCCAATGTTATCTCTGCAATT  
CGGTCCTTTAAGAACCAATCCGATATATTCGATGGTATATTTCCGGTGTTATGCAGTTGTGATCACATTCTTCGT  
GGTCTTGCTGAGACGGAATGGGAATTTATTTTCAAGAACTGGAAGGTATTAGAATATTGGGCTGGCCGGG  
CATGCTGCAAATCTTTGTTGCAGTCATGACAAGAGCTTTCCCGGTGTATTCTGTAGAGCAGAGAGAGCTTATTC  
TTCTTCAAGATGCTGCAAGTTATCTTCTCCTTGCCTGTGGTGAGTCTATGTTGTATCGGGGATACTGTGCATT  
GGGTTTCTCAAACGAGCTCGTGAAAAGAAAGAACTGCAAAGGACAAGGTGGTCAAAGATCTTCAGGAGTTG  
GAGAGACAAAAGCAAGAACTTGAACAGTTGCTCATTTAGAACTGTTTGAACAATTTAAAAACGTCCCTAT  
GCACAAGAATTTTATTGCTCCTGATTCTCACTTCGCTGCTGGGATTGTATGAGCATTTGTGCTGCTTTGTTTTT  
TACTCTACTGTAATTGTCCCTTGCTAAAGTGAGTTTGACTCAATGGTATTGATATGATCTTTATCACTTGAGG  
TTTGATCACAGTTATTGTACTAAAAATCCATAATTGTCCCTCTACTCATGTAAATTGTGTCTAACTTAATAATTT  
GTCCCTG

>trans\_c\_2979 NM\_001084331|Arabidopsis thaliana HEMB1; catalytic/ metal ion binding /  
porphobilinogen synthase (HEMB1) mRNA, complete cds

AACAATTCGATTGCTCAAGGACAAATACCCTGATCTTGTTATTTACTGATGTTGCTTTGGATCCGTA CTCTC  
TGATGGCCACGATGGTATAGTTAGAGAGGATGGAGTTATAATGAATGATGAGACTGTACATCAATTATGCAA  
ACAAGCTGTCTCCAGGCCCGTGCTGGAGCAGATGTTGTCAAGTCAAGTACATGATGGATGGTAGAGTAGG  
AGCAATTCGAAGGGCTCTTGATGCTGAAGGCTTTTATCATGTCTCCATCATGTCTTACACAGCGAAGTATGCAA  
GCTCATTTTATGGTCCATTTCTGAAGCACTAGATTCAAATCCTCGTTTTGGAGACAAAAAACTTACCAGATG  
AATCCAGCAAATTATAGAGAGGCTTTGATCGAAACCCGTGAAGACGAATCTGAAGGAGCTGACATTCTTCTGG  
TGAAGCCCGGTCTACCCTACCTAGATATCATAAGACTTCTTAGGGATAATTCTCCTTTACCTATTGCAGCGTATC  
AGGTGTCGGGTGAATACTCGATGATCAAGGCTGGTGGGGTTCTCAAAATGATTGATGAAGAAAAGGTGATGA  
TGGAGTCCCTTATGTGTCTTAGACGGGCAGGAGCAGATATAATTCTCACATATTTTGCTCTTCAGGCAGCTAGA  
TGTTTGTGTGGTGAGAGGAGGTGAGAGTTATGGTAATGTGCATTTGTAGAGTTTTTTCGGTCGTCCAACTTG  
ATATCAGAGGTTTTTTCTCAATAAATTCTGTAATATTATTTGAATATCTTTGTAGTTTAATTCAATGCTCAATTTG  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTTGGTTTAATAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2980 EU591516|Nicotiana sp. variant 'Rastroensis' pollen-specific C2 domain containing  
protein mRNA, complete cds

TTGAAATTAATAAAAAAAAAAATTAATTAATTTAATTATTTGGTGTGTATATATAAATAGGAGGGAGTAGAAGACCA  
TGCCGGACACACCTACATCGCCAAAGAGCGGTGGCCGGCTGTCGCTAATGGAGAATCTGCTCGGGCTTCTCC  
GTATTCGTATCATTCGTGGTGTCAATCTCGCTGTTCTGTATGTTTCGAGTAGCGATCCTTATGTCGTCGTCAAG  
ATGGGAAAGCAAAAATTAAGACACGGGTGATAAAGAAGGATGTCAATCCTGTATGGAATGAAGATCTAACT  
CTCTCTGTTAGTGACCCGAACCTTCCCATTAAACTGACGGTTTACGATCACGACACATTTAGCAAGGATGATAA  
AATGGGGTACGCCGAGTTTCGATATCAAAGCATTATGGAAGCTCTGAAGATGAACCTTGAAGAATCTTCCAGT  
GGAACGACAATAACACGAATGCTACCAGCAAGGCAAACTGTCTAGCTGAAGAGAGCTGCGTCGTCTGGAAA  
GATGGTAAAGTAGTCCAAGATATCTACCTTAGATTGAGAAATGTCGAATGCGGGGAAGTCGAGGTTCAATTG  
CAGTGGATTAATCTTCAAAGCTCCAAAGGATAAAGGAGATTTGGTTTAATCAGCATCCCATGCTTAGCTAGA  
GGTCACTGCTCATTCCACTTCTATCTTTTCAAATATATATATTTTGTATAGTGTCTCTGATGTTCTTCTTAAG  
ATCTTATGTATCTTAGTCAGTCCACTTAATACTTGCCTGTAGCATATGCATGTTGTGTAAGAATCAAAGTCTTGC  
GCTTTGGCTCAGGTTTTTTATGGATCTCTTAAATAAATTTTGTTTTTTTGATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2981 EU925809|Vitis vinifera auxin binding protein 1 (ABP1) mRNA, complete cds

AGAAATTACGGAAGTATCTGGAAGGGTATATAGAGTGAACGATTGATGAAGCACCAAAAATGGTGAGAGAG  
CAGCAAGCGACTAGATATCAATGGCGGGATTTTCCTTTGCTTTATCTTTTGCTCAATTTTCCTCTTTGCAATCA  
CTGAAGCATCCCCGTTGTTTCGATCATCGGGTTGCCCTAGTAAGAAATATCAGTGAGCTTCCACAAGATAACTAT  
GGAAGGGGAGGCTTGTCTCACATTACTGTTGCAGGTTCAATTATTGCATGGGCTGAAGGAGGTGGAGGTGTGG  
CTCCAAACATTTTCTCCTGGATCGCACACACCTATTCACAGGCACTCATGTGAAGAAGTTTTGTGGTTCTGAA  
GGGGACTGGCACTCTCTATTTGCTCCTAGTTCTCATGAAAAGTACCCTGGAACACCAAAAAGAATTCCTATCT  
ATTCAAACAGTACATTTCTCATACCCGTTAATGATGCTCATCAGGTTGGGAATACAAATGAACATGAGGATCTA  
CAAATGCTTGTTCATATTTCTAGGCCACCAGCCAAAGTGTTTATTTATGATGATTGGTTCATGCCCCACACTGCT  
GCAAGATTGAAGTTTCCTTACTATTGGGACGAACAGTGTTTCGAAGCGCCGCCAGTGAAGGACGAACCTTGAT  
CACTTCGATGTTGTTCAAAGTTGTTTTGTCCTTGACATGAAGTGTGAAGTCGTCGTAAGAAAATAGT  
GGAAATATGTGGAACCTTAGTGTGAAGATCATTCAAATCTTCATTGTTCTACTTCTACCTCTACTTCATATTTTCT  
GGTTTTGGTATGAAGTATCATATCCCCAATCCTTCCTTATACCCATAGGATGACAAAACCTGGAGTGATTACC  
ATTTGCTC

>trans\_c\_2982 EF051328|Gymnadenia conopsea multiprotein bridging factor 1-like mRNA,  
complete sequence

AAGCTATCTAGACATTTTTATATCCTCCGATTAGAAACCTAATTGAGATTCTCCGTATTACCCACCCTGGAACA  
TCTTTGAAACGCGAAAAGGTGACCCGAAGAACTTGAATGGCTGGGATCGGACCACTTTCACAGGACTGGG  
AACCGGTTGTCATCAGGAAGAAGGCCCCCAACGCCGCCGCAAAGAAGGATGAGAAAGCTGTTAATGCTGCAC  
GCCGAGCCGGGGCGGAGATTGAAACCATAAAGAAATGTGACCTCTCTAACTTTTATCAATTATCCCGTTGTTTT  
TCCTGTATAAGAAGCCCCAATCGCTGCTTTCTGTTTTGCTTTTGACTTTCAACTCTATTTATTCGTAAATTGGTA  
ACAGTTTAGCGCGGTGGTGATGACAATCGAGGGTTTTAGGTTAGAAAGATACATCCATGTTTAATATCGGGG  
GGCCATTTAGATTGATTTCTTTTTCAACTGACCATCGCATTCTTTAATGGATCGAGTGGGCAATGATCATTTG  
GGACTTGTGCTGGTCTTAACTGAGTTGGGCTATGGGTACCTGTTATTTCTTATATTCTGCGTATGTTTGTTA  
CAAATGGGCATGAGTCTGTTTTATCCTGTGAAATTTAGTGTGCAATGATACTTTTTTTGGCCTTCTGCAGCTGC  
TGCTGGGTCAAACAAATCTGCCTCTAGCAGTACTAGTTTGAATACTAGGAAGCTTGACGAAGAGACTGAGAAC  
CTTTCTCATGATCGTGCCCACTGAGCTGAAGAAAACAATTATGCATGCTCGAACAGAGAAGAAGCTTACTC  
AGTCTCAACTTTGCTCACTTATAATGAGAAGCCTCAAGTTATCCAGGAGTACTAATCTGGAAAAGCTATTCCGA  
ATCACAAA

>trans\_c\_2983 NM\_127130|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein  
(AT2G15690) mRNA, complete cds

ATTGCCTATCTTCTCTGTTTCAATAAAACAAAAACAGAGCAACCTTGTTTTCACTACTCAACCACTGAAATTCC  
ATCTGGGTTCTCTAAATTTGAAAACCATATCTTCTTTTCATCCAAAAACACAAAAACAAAGCAACCCATCAT  
TAAAAAATGCCAATTAACCCGAATTTCTTGACCTGCAATACAACGTTTCAAAGAAAAAGTTCTCCGTGAAC  
CTTCCCGGCTGTTCTCCTTCAAGGACCGGCAGAGCTCTGGCCTACGGCGGGCACTGCAGCCGAGCTTGGAGG  
AGATAAAGCAGATCTTCAACAAGTTTGACACGAACAAAGACGGGAGGATCTCAAAGCATAAATACAGGGGAA  
TTCTTAAGGCGTTGGGGAGAGGGAGTTCAATGGAAGAAGTGCAGAAGATTTTCAGGGCGGTGGATTCAGAC  
GGCGATGGGTATATAAATTTGAATGAGTTTATGGAGGTTACCCGAGCGGCGGGGGAGTTTCAGGCAAAAGA  
GGTGGAATTTGCCTTCAAGACGTTTGATTTGAATGGGGATCGGAAGATTAGTGCAGAGGAAGTTATGAGAGT  
GTTGAAGGGATTGGGGGAGAAGTGTAGCATTGAGGATTGCCGGCGAATGGTGAGGGCGGTGGATAGCGAC  
GGCGACGGCATGGTGGACATTAATGAGTTTATGACCATGATGACTCGCTCTGCAAAGTAAACTCTTCTTCTTC  
TTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCGTCTAATGTAAACTAAAAGTGTTTGTGTAATGTAAAGGCTTTGCGTTTA



TTTGAGTTACAACCTTCCATTTCATAACAATTCTAACTTATTAACTTAGACTCAAATCCAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2984 HM134801|Glycine max ERF protein (EBP) mRNA, complete cds

ATCCATCATTCTACATATCCTCTCGTCTTCATTTCTCTAAAATCCCCAATTCTCTAATCATGTGTGGCGGCGCCA  
TTATCGCCGACTTAATCCCTCGCCGTGACGGCCAACGCGTTACCGCTCCGACATTTGGCCTAACTCCTCCTTCT  
TCCATTTCAACAAAATTCGCTCCGATCAAGTTTCAACTCCCCTCAAACGAACCCCCCTCCCGGCCTCTTCCGAGG  
CTTCGAAGCCCAAGAAGAGGCAGAGGAAGAATCTTTACAGAGGAATTCGTCAGCGCCCGTGGGGAAAATGG  
GCGGCTGAGATTCTGTACCCCAGGAAGGGGATCCGTGTCTGGCTTGGGACTTTCAATACTGCTGAGGAAGCC  
GCTCGAGCTTACGATCGAGAAGCTCGCAAGATTCGTGGAAAGAAAGCTAAGGTCAATTTCCCTAATGAAGAT  
GATGCATATTCCATTCAAGCTCCCATTCTCAATTTACCCTCATCTTTACACTGTCCCTGAGAATTCCGAATTCC  
CCTACGATCTCAACCAATCGGTGATTTACCGGCACTCACTTTCCCGTGGCGATTGAGGAACAATCCGGCTCT  
GGGTCCGAGGATTCTTATTCTCCACCGAAAAGATTCGGTGTGAAAGAGGCTGAAGATCAGAAGCCGGAGCA  
GAAGGTTAGCGTTATTGCCGCGGCGGAGGAAGAGAACGAGGTGCAAAAGCTTTCTGAGGAATAATGGCGT  
ATGAGAACTACATGAAGTTCTACCAAATTCCATACCTCGACGGTCAATCGACGGTGACGAATCCGGCTGAAGA  
ACAAGTGGTGGGCGATCTCTGGAGCTTCGACGACGAGGAAGGGCTTACGGCTCTGTTTCGTCTCTGAATT  
ATGATGATTGATGATC

>trans\_c\_2985 AM494000|Lotus japonicus partial mRNA for spermidine synthase (spds gene)

AGTGCTCACATCCAAACGAAACGGGTCATTGAGAAGCACTCCCCTCTCAGGCCTTGTATTGGGGTTAGGGATT  
TTAGCGAATCTATTCTTTTTCTTATGGCTGCGGAACAATCCGTCGTCGGGTCGGCAGCGAACAAACCCAGAT  
TGAGAATGGGGTTCCTGCTTCTATTCTCTGTAATTCCTGGATGTTTTCTGAAATTAGCCCAATGTGGCCTG  
GAGAGGCTCACTCCTGAAGGTGGAGAAGGTTTTGTTCAAGGGAAGTCTGATTATCAGGATGTTTTGGTATT  
TCAGTCATCAACTTATGGGAAGGTTCTGGTTTTGGATGGGGTGATTGAGCTTACTGAGAGAGATGAATGTGCT  
TATCAAGAGATGATCACTCACCTTCCACTTTGCTCAATTCAAATCCCCAAAAGGTTCTAGTCATCGGTGGAGG  
AGATGGCGGTGTCTTGCGAGAGGTGGCTCGACATTCATCCGTTGAGCAGATAGATATCTGTGAAATCGACAA  
AATGGTAGTTGATGTTTCCAAAGAATTTTTCCCTCGCGTAGCTATTGGGTACGAGGATCCTCGTGTCACTCTTC  
ATGTTGGTGATGGTGTTCATTTCTGAAGGCTGTTCTGAAGGCACTTATGATGCAATTATAGTGGATTCTTCT  
GATCCTATCGGGCCTGCACAAGAGCTTTTTGAGAAGCCCTTTTTGCTTCAGTTGCCAAAGCTCTTCGACCAGG  
AGGTGTTGTATGTACTCAGGCAGAGAGCATCTGGCTTCACATGCATATCATTGAAGACATTGTAACAACTGC  
CGCCAGATATTCAAAGGCTCTGTCAACTATGCATGGACTACAGTTCCACATATCCAAGTGGAGTGATTGGGT  
TTATGCTCTGCTC

>trans\_c\_2986 AY106847|Zea mays PCO123425 mRNA sequence

CTGTGATTCTTTTGTGAAGCGACGATGTGGGCAAGCGCCGAAGGAGGGCCCGCGGAGGTAACCTCTGGAGACT  
TCCATGGGTTCTTTCACTGTTGAGCTTTACTTCAAACACGCACCGAGAACATGTAGAACTTCATCGAGCTTTC  
CCGGCGAGGTTATTATGACAATGTCAAATTCACCGGATTATTAAGGATTTTATAGTGCAAGGTGGAGATCCC  
ACAGGAACTGGACGGGGTGGGAATCTATTTATGGCAAGAAGTTTGAGGATGAAATAAAACAGAGTTGAA  
GCATACTGGAGCTGGCATTCTATCTATGGCAAATGCTGGTCCTGATACAAATGGAAGCCAATTCTTTATAACTC  
TTGCTCCTTGCCCATCTTTAGATGGAAAGCACTCCATCTTTGGAAGAGTTTGTAGGGGAATGGAAATTATCAA  
AGGCTTGGCAGTGTAACAACTGATAACAATGATAGCCCATCCATGATGTGAAAATACTGCGGGCATCAGTTA  
AAGACTAAAGCTTTTCAGTTATTGACTTTTGACACACTCGTTGTTGTATCTCAACACTGTATGCAGCAATAAAA  
ACCACGTTGTGTGTTTCATGACAGAAGGAAGGAAAGGAAAAGAAAATTTCCATGTTAGTTAGGCGAAGAAA  
GAGGAGGGGAAAAGGAGCTTTCAATCTCATAAAACGGTGTTCTAATTCTAAATTCATAAATACTTAGCATTGA

CTGACTTCTCCTTTTATAACAAATATGAGATTGAGGGTCTTCCAAATTCACATGTCTCAGGTCCTTGTCTTCACT  
ATTCATGTCTGAATTTCTCGGTACGAGAAATCTTCTGAAATTGGAATTGAAACAGAGCTTTGGGCAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_2987 NM\_202445|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding (AT1G79110)  
mRNA, complete cds

TTGAGAAGATATCTCTAAGTCACAAGAAAAGCAAAGAAGAAACGAAACCAACTCAACAAGAAAATTTTCATG  
GCAGTTGAAGCACGGCCTATGAATCTTCTACCTTCTCATCAGTTCATCATCCCCAACACAGAGATTTTCATCAA  
ACAGAATCAAGAATTAGCAAGCACCCACATGACACCTACCACGGACACCACCACCCAGGAATAATATGGCCT  
TACACGGCCGTCAAACCAGCGGTTACACCGGAGGCGACTCTCAATAACTTCGCCACTACTATGTACGATTGGG  
GAAAAGCAGAGAGTGGACTTACATCCAATAACTTCCCATTAACCGCTCCCACCCGAAAGAGAACGAGATCGC  
GTTCTTTTACGATGAACCGGGGGGGAGGTTGTTGGATGAAGAAATCATAAACTCCACATTCAGCAACAACA  
GAGTGAATGGATCGGTTTCATTGCAATCCATAGGGAGAAGATGAGGAGGGCGGTGCCGGAAGTGTGGGGC  
GGGGGAATCGAGGGTGTGGTGTGGCATGCAGGCATCTTTGTTGTGTACAATGTGTGGGTCCACAATTCAC  
AGTTGCCCAGTATGTAATTCTGCCATTAATGCCAGCGTCCATGTTAATTTTTCTTGAATCCATACCCAACAACAC  
AAACAAACAAACATAATTCTTTTCTTTTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACGCCCCCCCCCCCCCA  
AAAAAGTTTACCAAACCCCCACACCCCCGGGGGCCGCCGAAAACCCATTTCCCCCAAAGGAGAGCCCAAACAC  
CCCCGCCCTCGCCGGGCGTT

>trans\_c\_2988 AY054153|Arabidopsis thaliana At2g17240/T23A1.10 mRNA, complete cds

AATTTCATAAATCGAAAGGATAATTTAGCGGAGGAAACAGTGACGCCGTGGTGCGGAGAGAAAATAAGAGG  
CGGTCCGGTGTCCATCTACTCTTGCGGCTATTTCATTTTGGTGAATCGGCCACCAGCAGATTCAGTAAG  
ACTCGAGCCGTCACCTCAAGGTCGAGGAAGTTCATGGCGTCGATATCCCTTTTCAGCTCTAAAACCCTAGTCTC  
ACCATCGGCGACCTACCTACGGATATCTTCTTCTCATCTACAAGTCATAGTTGCTGTCTTGGTGGCTGCAGAT  
GCTCCTTCCCAATCAAGCCGCTTTCTACTTCTAATTTGATTTTTGGTAGAAGGAGAACGGGGAGGCAGGTGGT  
CCGAATGGCCCCGAGGAAGAGAAGCTCACTCGTCGAATCCTCTTGATTTCCCTATTGAGTGGGAGAGGCCT  
AGGCCAGGACGTAGACCAGACATCTTCTCAATTTAGCCCCATGAAAACACCATTGCCACCACCATTGCCATG  
TGATCCCCCTGAAGAAGATGAGGAGGAGGAAGAGAAGAAAGAGGAAGAAGAGGAAAATCCTGACAAGGAA  
AATCCAGAAGGGCCTGAGCAGCAATAGATGCTGTCCTTGAAGAACTCCCTGAATTCCTTTCCATTTTCCATCT  
TCACTTTGTTTTTGTAGGCTGAAAGCGTTAGACATCCCTAGGGGATGATGAGCTGAGTTAGTTTACAATGA  
ACCAAATATGTCTGAGAGCTACTACTGATATTGCAATGCTATATTAAGTAAAATCTCTTAGGATTTCTATTTT  
CTTGAGTTCCCCACTATAGGTAATGTATTTTTACAAATAATTATCCTGAATGATATGCCTTCTCTCCCGTTTGA  
CTCACAAAAAAAAA

>trans\_c\_2989 BT002152|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g74730) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTACTAATCCATATTATAAAAACTCACTTAATTAACACCATAATAATTTTCATA  
ATTACACAAAAAAGACAATAAACTATTATCAAAAGGAGTATTCAATTTACCTACACACACCATCTTCAATCA  
GCTTCTTGAGCCCAACCCAGCACCATCAACTAACAATCCGGCAGCCCCAAGCGCCAATCCACCGCCGA  
CCACCGCCTGCAACGCCACAAGGGCCACCGAATCATCGGGAATTACAACAATCGCCACCAGCGCCGCAACCA  
AAATGGGCAGTGCAAGAGAAGCCAAAGCGGAGGGAGAAGAACTCGCACTTTCCCGAGCAAGCTAAGAAGC  
CCTAATTCTTCAGCTTTAGAGAAAACCCCCAATTTCTCAATGGAAGAAAGCGTAACCCCTAATTCCTCCGCCTTC  
GATAACAACCCTGCTTTTTCAACATTGCTAAGAACTTACTTAGTCTCAAGCTTCTTGAACACATCCACTTCCACA  
TCCTCCGCACTCTCGTAAAAAATTCAGCTCCAAACCATTTCTCTCCAAGCATCGTCATATTTGTTACCTGA

ATCCATCAATTTCCATTTTTTTTTATCAGCCACTAGCGATGATCGACCGAAAGAGAAATTAGAAAGAGTTGCA  
GTGTACCTTCTTCTGAGGGGCCATGGCGACGATGGTGAAGTGGATTGGATCTGGAAGAAGGAAAGGGACGAC  
GGGGATGGTTAGAGATGTGGTGGATTCTGGAATGGAGAAACGGTTGGGAAGGTGAGAGAGAGAAGCAGT  
GGAGGAAGATGGAGAATGTGAAGTGATCACCGCCATTGTTGAAGATGAAAGGAAGCTTTGGTGTCTTCAGC  
TTCAGCCAAGCATT

>trans\_c\_2990 AB041352|Nicotiana tabacum cig3 mRNA, complete cds

AATATTAACACCCTCCATTGGCAAACAATTCAGACGACTGCATCCAAATGGCCACTTGAACAAGAAGCTTGTCT  
TGTTGACAGCTTGCAAAGTTTGAGGTTATTGGAGAATGGGAATGGGATGAAAACCTGATCTTCAGAATGATGT  
AACCATGTTCAATCCTGCAGCTCACATGATGCCTATCAAGCAAGCTGTTAATAATGATGTTTTTACAGTGACA  
AAAAGCCCATAGGAGCTCTTGACAATCTAGGAATGATGTGCCTGCCTCCTTTGGAGGCATCATTGACCCAAT  
GACTACAGGTGTATTTCTAGCCTTCAAACAGGGTTGAGGAAAAACCCAGTTGGTCGACCAGTTAGGCATCTT  
GGACCTCCTCCTGGATTCAACCATGTTCCAACCTAAGCATGCTAATGAATCCCTCCTGGTTCGGAGTTTAGAAG  
TGAGAATCAGATGATGGATGATTATAGCTGGTTGGATGGATATCAGCTGCCCTCTTCTACAAAAGACTCTGCT  
AATGCTGTGCATCTCACCTCTCATATGACTGCTCAGCAAATTGGTGTAGTAATATGTTGAGTGCAACAATCAA  
CTCCCTTTTCTGGAAAACAAGTTCCAAATGTGCACTCTCCAATAGGAAAACAGAAAGGCTGGCCTGATTTTC  
AGGTGCTTGAGCAGCTAAGACAACACAATGAACAACATTTGCAGCCTCATCAACAGCTTGTGAATGGTGGTAA  
CCAACACTTTAGTTCGCTGCCTGAGCAATATCCAGGGCAGTCTATATGGACAGGTCGTTACTTCATGTGATGTC  
AGTATGAGAGTATAGATGGTCCTTGGGAGTGTAATGGGTGATTGTACCACATCCTGGTGCCAAATTGACTCC  
ACCTTTGCTGCT

>trans\_c\_2991 BT020475|Arabidopsis thaliana At5g24890 gene, complete cds

GGATTTTGCTCTTCCACTCTGTTTCGTCTCTTCTTCTCGTTAAGGCCATCACTATCTCTTCTACCCACCCTTTCAT  
TTCATGACAACCAATCTTCTACCGGCGCTCCCTTCAATAACCCCTCCTCGCCGCCGCTTTCACCTCCATTTCCCTC  
CCTTTTATCTCCTTGTTCCTCTTCCCTTCCCTTCATGGAGATTCTCTCCCTCCTCCCTCTTCTCCATCCAGCTC  
GCTTCTTCTTCTCTTCTCTCCTCTCCGATCGGACCTCCGCTTCTCCTCCTCCTCCTCCCCCGCCGGAGCATCGCC  
TTGATTCCCTTGGAACTCTTTCGCCGATGATGAAATTGATTACTCTTCTGATTCTCTTCTTCGATCGGTGTTCC  
TGATGATAGCGACGACGAGAGCGTTTCATCCACTGGTCGAGATTCTGAGGAAGTTCAAAGTAAATTATCTATT  
CGATCGTTGGAGGAGTCTCTTCCGATTAAGAGAGGGTTATCAAGTCATTTCTCTGGAATTCGAAATCGTTTG  
CGAATTTAGCTGAGGCGAAATCGGTAAAAGATATTGAGAAACCTGAAAATTCATTGAATAAGAGAAGACGAA  
TTCTGATAGCGTCGAAATTGGCTAAGAAATCGTCCTTTTACGCTTGGCCAAACCCTAAGTCGATGCCTCTCTTA  
ACGCTGAGAGAAGAAGAAGACGATGACAATAATGATGACGAAGATGGAGAAGAATCAGGTACTGCTCCATC  
TTCTTCTGAAGATAACGAAGATGAAGGTCGTCATGAAGAACGGAAAGGAAAAAGAGTTAGGGATTTTCATCA  
AAAAAGGTTGATGAGCTTCAACTCACGAAGCTTTTCTATGGCGGATCTGCAACAAAACAACATCATGGTATTG  
AT

>trans\_c\_2992 XM\_002863375|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

TTGCCAAAGCTCCGATCATGCTTTGGCCATCCGTTTCTGAATCAGATCCATCGCTTTGTTCTCAAGCTTTTCTTCT  
TTCACCTTCATTTTCTCTGATCTGAACGGTTTCCGTTGGTTCTTCAGTTCGGTACTTCACTCTTAACAATGTCCTG  
TTCATATCTACGCCCCGATCCCCCGCCAGAATATTCTCCATACAAGACGGGGTTTTTGCCAGACCTACAGCC  
GTTGTAATACTCTGATGATCACTTTGATCGTCTTCTGACTCTTCTCCTGCTGATATTCAATAGGATCGGCG  
ATGTTAAGGCTCTTGGACGTTGCTGTGCTGTTTCTCGAAGATTCCACTCGATCGTCTCTCAGGTTGATAACGTT  
GTTGTCCGAGTTGATTGTGTGATTTCGATGATGATTTCTTTCGGCTTCTTCGGCTTCTGATAAATCCCGGAGT  
GGTTTTTCTAATCTGTTTCGTATGGTTCTTGGAGGCATTGTTAAGCCGCTTCAAGCGTTAGGTCAGTTTTTGGG

GCCGAAAAGGGTGACTTCTTCTGGGTTGGGTTTCGGCTTCGTCTTCTTTATCGACTTCTTCGCTTGC GGTTGGGA  
GGGATGAAGATGGGGAAAGTGGTCAAAGTGGTGTGACTCATCACTCGCCGACGCAAGTTCTAAAGAATTTTA  
ATGAGATTTCGGTTCCTTCGGATCGAGCTTCCTAGTGGTGAATTGGGTATTGACGATGGGATATTGTTGAAATT  
GCGAGCTGATTTTGGATCAACTTTGGATAACTGTGAGATCCTAGGTGCTGCGTCGGTGATTACGTTGGATCC  
CTTAATAAGCACATTCAAGAGAATGGAAGTGAAGGATTTTGCTCTGGAAATAGCCCAGCAATCAGTAGTCTAT  
TTCT

>trans\_c\_2993 NM\_111674|Arabidopsis thaliana rhomboid protein-related (AT3G07950) mRNA,  
complete cds

ACTTACATTTACGTTTCGATCTCCCAAGTTCCCACTTCATCGAAGACCCACTCCCCCCCCCAATTTAATCCAAA  
AGTCTCCGGCCAAGCAAAACAGTCCATTTTTAGCTCGCAACTCCGATCACCGTCTCCACCGTTACCGTGTCCG  
CCCATGAGTACTCCAGCAGTTCGGGGGGGCTCGGGTTCGTTTACTGGATTACCAAGCTATGCAAGGGCTTAG  
CCGTTGTGCTAATTGGCGGGCATATCTTGGTTCAGCTTTTCTGCGTTGTAACTATCTTGCTCTTATTCCAG  
CCAGGACAATACCTTTGCTGGAATCTCCTAACTGCTGGTTATATTGAACAGTCAATATATGGGGTTGTTGTC  
AGCACAGTTGGCCTCCTGTTTGTGAAAGCTGCTTGAACCCATATGGGGATCTAGAGAATTTTGAATTCAT  
CTTTGTAGTCAATTTTCTAACTCCTTATGTGTCTTTATCACAGCAATTGCCCTGTAATATTACACAGGAGGA  
AAGTTATCTTTATTTGCCTGTATCTGGTTTCTATGGGATCCTGGCTGGATTCTTGGTTGGGATCAAACAAATGA  
TACCTGATCAAGAGTTGCCAGTATTGAACTAAAAGCTAAGTGGTTGCCATCTGTTGCTGTTTTGGTATCCATT  
GCCATAAGCTTTTGGACAACAGGAGCAGCAACATATCTCCCCACAATAATTTGGGACATACATCAACTGGA  
TTTTATCTGAGATACTGGCAGAAGAACTGAAGCAAACTGAAAGGCGATCCTAAGTGATGATTTTGC GTTC  
CCTACATTCTCCCTGAACTTTACGGCCAGGCATTGATCCAATTGCATCAATATTTATCCGAATGCTTTTGGG  
GAA

>trans\_c\_2994 AF495716|Helianthus annuus GTP-binding protein (RAN) mRNA, complete cds

TGCTTGCTTCCTCCCTCCATTGCTGCTCTCCGTTTCGTCCAAAAATCTACGCAGTTCTCTTTGTATTCTTGATCCTC  
AGTCGGTTATAGACGTTGCCAATGGCGCTGCCAAACCAGGCCACCGTAGATTACCCTAGCTTCAAGCTTGTA  
TTGTTCGGAGATGGTGGAAACAGGGAAGACAACCTTTGTAAACGTCATCTTACTGGAGAGTTTCGAGAAGAAAT  
ACGAACCAACAATTGGAGTTGAAGTTCATCCATTGGACTTCTTTACGAACTATGGAAAGATAAGGTTTTACTGC  
TGGGATACCGCTGGTCAGGAGAAGTTTGGTGGACTTAGAGATGGTTACTACATTCATGGGCAGTGTGCCATC  
ATCATGTTTGACGTCACAGCTCGTTTAAACATACAAGAATGTCCCAACATGGCATCGTGATCTCTGCAGGGTCTG  
TGAGAACATACCAATCGTATTGTGTGGAACAAGGTGGATGTGAAAAACAGACAGGTTAAAGCAAAGCAAGT  
GACCTTCCACAGGAAGAAAAACCTTCAGTATTACGAAATCTCTGCTAAGAGTAACTACAACCTTGAAAAGCCCT  
TCTTGACCTCGCCAGAAAGCTTGCTGGGAATCCGGAACCTCACTTTGTCGAATCACCTGCCCTTGCTCCTCCT  
GAAGTCCAAATTGACTTGGCCGTACAAGAACAGCATGAACGAGAGTTGGCGCAAGCTGCTGTACAACCTCTTC  
CTGATGAAGACGACGATGCTTTTGACTAAGTGCATTTTACAAGGGTGTGCTTTTGGTGTATTGCGTTACAAG  
GGCCTTATAGTCATTGTGGTTCGTACGGTCGGTTGGTTGTGTTGCTATGTCGTGTTTCATAGTAGGTTTTAGGT  
TTGGTTATGGTT

>trans\_c\_2995 NM\_125546|Arabidopsis thaliana small G protein family protein / RhoGAP family  
protein (AT5G61530) mRNA, complete cds

TTCTTCAGCTTCTGCAGGCTGAGCGCGTATTTGCCTTTTCGTAATCGGCTTAATCAATACATATCTTTGAACTGA  
GTCTGGCTTCATGGTTGGTTCAATGCCTACTGTAACTCTTCTCAGTGGCAAGAGAAGACTAGTGGTTTTTTTT  
CTTCATCAGGAGTGAAGCTGAAAGAAGCTGGACATTCAGCTGGAAATTTTGTGAGGAAGTTGCAAAGGATG  
CAAAAGGAAATGCTGCTGATGTGGCTGAACGGGTTGGTTCTTTGTTCAAGAGTCGATGGGCACTCCTCCAACA

GCCAGCTACCAGACATGCTGTGCAAGAACGTCTAATATCTGCTGCTGCTACTACAGGCACATTCTTCAGAAAA  
GGAGTGTCTAGAGACAAAGGACAAGGTTGTTGTGGGGAAAGTTAAAGTTGAAGAGGTTGCAAAAAAGACTGC  
ACAAAAGAGCAAGACAATTTTGACAGATATTGAAAGATGGCAGAAGGGGGTTGCCAGTACTGATGTATTTGG  
AGTTGCAATTGAGGTAAGTGTACAAAGACAACAGTCAAGCAGGGTTATTCCGCATATTTTGGTTAGATGTGCC  
GATTATCTTGTCTTGTCTAGGATTAACTCACCATGGTTGTTCAAATCTGACGGAGATAAAAAGGTTCTTCAGCA  
GTTGGTGTCTATGTATAATCAAGATCCCAACGCCGCCTTACCTGAGGGTACAAATCCAGTTGATGTAGCAGCT  
CTTGCTAAATGTTACCTGGCAAGTCTTCTGAGCCACTAGCCACATTTGAGCTTTATAATGACATCAGGGGTGC  
TCGTACAAGCATAAATGCCCTACGAAACATTTTTAAGAACTTCCCAATGTGAAGTACATGACCTTGGAGTTA  
CTACTGCCCTACTTC

>trans\_c\_2996 XM\_002864667|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nuclear transport factor 2 family  
protein, mRNA

ATTCTCTCTACTTGTTCCTTAGCGCTCAGATCTCTCTCCAAAGCTCGATTCTCTGCCCTTCAAGCAGATGGCGG  
CAACACAGGAAGCCAGTTCTTCCCCTACTCCCAGTGCTCAAGTTGTTGGGAATGCGTTTGTGGGCAGTACTAT  
CACATCCTTCATCATTCTCCCAATTGGTGCATCGGTTCTATCAGGAGACAAGTTTGCTAAGCCGCCTGGATAG  
TAATGGAGTGATGACAACAGTGACAAGCATGCAGGCAATAAATGACAAGATCATATCCTTGAATTATGGAGA  
TTATACAGCAGAAATAATAACTGCTGATGCTCAGGAGTCTCATGAGAAAGGAGTGATTGTCTTGGTTACGGGA  
TGCCTAACTGGGAAGGACAACCTTGAGAAGAAAATTTCCCAAACATTTTTCTTGCTCCGCAGGACAAAGGCT  
ATTATGTCTTAAATGATGTGTTAAGATATGTTGAAGAGACTGAATCTATTGAAGCAACTCTTCTTCAGGTGAT  
GCCATCAAAGACAATACCATAACGGTGACATCAACCCGAGAACCTGAACCATCTCATGTTCTTAACCATCTCAC  
TGTGGAACCTCCAACGGCACTGGAAGAGGAAGATATGAACAATGTTCTGAAGTGTGTGATCCTTCCAGTAAT  
GATGAAGGATCGGTGATTGAAGAGGAGGTGGTTGTTGAAGTTCCACATCCAAGCGAGCATGAAGTGGTTGT  
GACAGCAGTAGATGCAGCCCTGTTGCTCAAGAAGATGCTCCAAAGAAGTCGTATGCATCAAATTGTAAGGT  
GACAAAGACAGTATCTGGCCCTGTTTATGTCCAACTACTACTGTAAGAGCACCACCACCTGCAAATCCTGGA  
CATCAGTCAATTGGC

>trans\_c\_2997 NM\_112563|Arabidopsis thaliana zinc finger (GATA type) family protein  
(AT3G16870) mRNA, complete cds

AGAGAAAGATGTAGCTAGGGTTTCCCTCCCCCCCCACCCCCCTTCTTCTCTTCTCTCTCTGCTTGTATATA  
TTTAAGATTGGGATTTTCAGATCCGCTTGCGGCCACTGCATTTGTGTCGGTTTGATTGAGATTCCCATTTTCATC  
ATTCTTCCTTTCTTCTCCCTCTCCCTCTCTTCATTTTCCTTCAATCTTTCCTTTTCCCTCGGTTTTCTTAATACCCA  
ACCCCTTCTTCTCTTCACTTCATTCCCTCTTCTTTAATCTTATCTTCTTCTATCCCTTTTCTTCCACCATTGA  
TTTCTCATCTACGTTTCATCCATTTCTTCTTCTTCTTCCGTCTCAGATCCCTTTTCTTCTTGTATCTCCTTTC  
CCCACTGTCTTCTGTTTCTGATCCAGGGTTTCCCACTTACTTACTCTTGGTTCTCTGCTCTCTGATCCTTCA  
CTCTCCACCCACTTCGAGTTTTGGGTTTTTGAATCTGGGTTTCTTTAGATCTCTTTAGTAGTGGGTGTATCAT  
GATGGATCCGAGTGATAGAGGATCGGAATCGGAGGACATGTCCGGGAAGAACTCTAGTGGGGTTTCGTCGG  
AGGAGAGTCAAGTGAATGAGCAGAACAAGAAGACTTGTGCTGACTGTGGTACTTCGAAAACCCCTTTATGGA  
GAGGCGGTCCGGCTGGTCCTAAGTCTCTTTGCAATGCGTGTGGGATCAGAAGTAGGAAGAAGAGAAGAGCG  
ATTTTAGGGTTGAGCAAAGGAGTCGTTGAAGATAAGAAGAACAAAAGAGCAGTAATATTAGTAGTAATAGT  
AAGTTGAGAGATAGTTTGAAAAAAGGCTTTTGGCTTGGGTAGAGAAGTTTTGATGCAGAGATCTAC

>trans\_c\_2998 NM\_001071339|Oryza sativa Japonica Group Os10g0466300 (Os10g0466300)  
mRNA, complete cds

ATCGATGACATTGTTCCAATTA AAACTGGAAAGATAGTCAAGCCCAGGCAATCTGCTAGTATCCCTGGAATGC  
TTGGAATGTTCCAAAATGAATGGGATGTTTTGGTGCTATCCAATTTTGCATTAGAACAACAGCTGCATACGGCT  
AGACAGGAGCTTAGTCATGCCTTGTATCAGCACGATGCTGCATGTCGTGTGATTGCAAGACTTAAAAAGGAAC  
GGGATGAGGCTAGGTCCTTGCTTGCTCAGGCAGAGAGGCAGATGCCTTGTCTGCAACTTCGTTTTCGTCCAA  
TGCTGGTGCTGTCAATGTTAATGGGAAAAGAGTTAATGAGGATGAGGAATTGGGTCCTGATGGGAAGAAAAT  
ACGTCCAGGAATATCAGACACTGTTATCTCTGAGCTCACAGAATGTAATGCTGCTCTATCACAACAAAGGAAG  
AGGCGGCAGATACCTGCCACTTTGGTTCCTGTTGAGGCTCTAGAAAATTACACCCAGATTTCTAGTCATCCACT  
TCATAAAACAAGCAAACCAGGCATTCTGTCTCTTGACATCCATCATGAGAAGGATGTCATTGCGACTGGAGGG  
CTGGACACAAATGCTGTTCTTTTTGGTCGATCATCTGGGGAGATTTTATCTACACTAAGTGGCCACTCAAAGAA  
GGTAACAAGTGTCAAATTTGTGGGCCGAGATGATTATTCTTGACTGGTTCAGCTGATAAGACTGTCCGTGTTT  
GGCAACAATCTGATGATGGGAACACAATTGTAGGCACATTTGAAGGATCATACAGCTGAGGTCCAAGCTGT  
TACCGTCCATGCTACCAATGACTTCTTTGTTACCGCCTCCCTTGATAACACATGGTGTTTTTATGAACTCGCTTC  
AGGATTATGCCT

>trans\_c\_2999 XM\_002324047|Populus trichocarpa chorismate mutase (CM1|CM), mRNA

CAGCTAAGGGAATCTACAACCTGATTTGGAGCTGTTCTTCACTGAGAATGAGGACGACGGTGTCAGACACTCA  
ATGCCACGATTCTAATTCTTA ACTCTAGACGGCTCCCAATCTCCAACACAACACCCACCAATCCTCTTCCATTTA  
ACTTACCACCCACCATCTCAGATTCTCTTTTATTTTTCATTTTCTTTCTCTTCTTCTTCTCGCTTTTGTTTCAATG  
GAGGCAAACTTTTGGGAATTTCCCTTCTCTTACCCGGTTCGATTCCGCTCAGAGTTTCTCGGTCGAGCTG  
TGCTTTTTCCATCCAGAATCGGACGCGTTCAAGGTGTTTCGATGTATCGTTTCGAGTATGATGAGATGGGGCTTTT  
CACCTGTAAAGCTTCTTCCGCTTCCACCCGATTACTAGCAATGAAGAAACGGGTGGACATGAGCGAGACCTT  
GACCCTCGAAAGTATAAGATTTTCATTAATACGACAAGAAGATAGCATAATATTTGGTCTTTGGAGAGAGCAC  
AATATTGCTACAATGCCAATACATATGATCGAGACACTTTTGCTATGGATGGGTTTACGGTCTTTGGTAGAG  
TATATGGTCAAAGAAACCGAAAACTTCATGCAAAGGCGGGTAGATATAAAAGCCCTGATGAACATCCTTTCT  
TCCCTAATGACTTGCCGCAACCATTATTGCCTCCACTGCAATATCCTCGGGTTCTACATCCAATCGCAGACTCCA  
TTAACATCAATCCAAAAGTATGGGACATGTACTTTAGAGATCTGATTCCAAGGTAGTTGAGGATGGAGATGA  
TGGTAACTGTGGATCAAGTGCTGTTTTCGATACAATCTGTTTGCAGGCCTTATCAAAGAGAATCCATTATGGA  
AAATT

>trans\_c\_3000 AL161560|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 60

ACACATCAAAGGCATCTGTTAGCTATCTTGCTGATGCCTCTTGGCTTGCTCGTAAAATCATAACAGTTTGAAT  
TTGGAGAATCCCATGGTGATACATGGGGAACCGCCACCATGGAGGAAGGAAGTGAATTTGTTGGTCCAAGA  
TTGGATTTGGAAGGCTCCCTTTACGACGACTACGATCTGACCGAACCCCACTGAATTTGAATTTAGACGACGA  
AGTTGCTCGAAGAGCTGAAGCACTCATACGTGACTTATATGATAGGACATTGGCTATGCTCCAGAGGCACCAC  
GCAGCATTGCTCAAAGCCGTGAAGGTCTCATCACCCAGGAGGAAATAATTGGAGAAGAAATCGACTTCATTC  
TAGACAATTACCCTCCACAAACACCTATTAGTATTCTTTGCAAGAGGAAAACCCTGGAAGCCTCCCATTTGTA  
AGACGAAAACGAGGAAAAGAACAGGAACAAGAAAAGGAACAAGAACGTGATTTTGAGTATGCTGCCATTCC  
TCAGTCGGCGATCAGCAAAGCTTGAGAAGGATACAAAACCTGTATGTGAAATTGGCAACTGATTTTGAGGCTC  
CATGACCTCTCTTTGCATCGCATCATGATTTTGGAGTTTGAAGAGATGGTAGCAGCTAAATTGAGATGGCA  
AATATTGCCATATTATTTTCTCAAAATTTTCTTTTTTATAACAAATTCTCATGGGTTGAATTTACAATTTTGAAG  
TCAATATTATATATTCTTTAGGTAGA ACTTTTGATCTTTATATACTATATTTAATATATTATTTATCTTATATGTTT  
GGTAGTTTCTCATCAATATCTTTGTATTAATAAAAGTACA ACTTCTTGCAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_3001 AY775334|Capsicum annuum RING-finger protein (RFP1) mRNA, complete cds

AATCTCTGAATGGCTCTGTTTTCAAGATCATTTGCTGGTAAATTGAAGACCCAAGAGTTAATTTTTGGAGTTT  
GGAGAGGATTGTTTCATATTTCTTTCTCTGCGGTTTTGCAGGTGAATTAGTTAAATTTCGCGTGTTCATTTTGC  
TTGATACTGAAGGAATTTGTAGAGTTTTGGAGTGATGGGAGGAAAGAATTCTAGGGAAGTAGGTCAAAGAG  
AGTTTGGTTCATATGGGTCTGGCAATTCTTCAACATGGGATCAATACAATTATCCTCCACCATCACCATCACCAT  
ATGTTCAACAATATCCATATACAGAACCTCTGGATATGGCTCACAACCTCCACAACAACCACGGAGAAGGCT  
TGACAGAAAATATTCAAGAATAGCAGATAATTACCAATCCTTGGATGAGGTGACCGCTGCTCTTGCTAACGCT  
GGACTTGAGTCATCTAATCTCATTGTAGGAATTGATTTACGAAAAGCAATGAGTGGACAGGTTCCAGGTCGT  
TTAATCGACGTAGTTTACACCACATTGGAAATGAGCCGAATCCGTACGAGCAAGCTATATCTATAATAGGGCA  
AACGTTATCAGCTTTTGATGAGGATAACTGATTCCGTGTTTTGGATTGGTGATGCATCAACCCATGATCAAG  
ATGTTTTTAGCTTCTACCATGATGATAGGATATGTAATGGATTGAGGAAGTCTTGCATCGTTACAGGGAAATT  
GTTCCCAACTTAAGACTTGCAGGTCCTACATCTTTGCACCAATAATTGAGATGGCCATGACAATCGTTGAGCA  
AACTGGTGGTCAGTACCATGTTTTGCTGATAATTGCGACGGGCAGGTCACAAGAAGTGTGACACACATAATG  
GTCAACTGAG

>trans\_c\_3002 NM\_115950|Arabidopsis thaliana guanine nucleotide exchange family protein  
(AT3G60860) mRNA, complete cds

ATTTCTGGTTCCTTTGTTAGCCGGCTTGTGAGAACTGAGCTTTGATCCCAGGCCTGAGATCCGAAAAAGTGCT  
TTACAAGTGTTGTTTGATACCTTACGCAAGCATGGGCACCTTTCTCATTACCGTTGTGGGAACGGGTTTTCGA  
GTCTGTCTTGTTCGAATATTTGATTATGTCGACATGCTATTGATCCATCGAGTGCAAGTTCATCAGAGCAGG  
GAAGTGATAGCGAGAATGGTGAGCTTGATCAAGATGCCTGGTTGTATGAGACGTGTACCTTGGCTTTACAAC  
AGTTGTGATCTTTTTGTCAAATTTTATGGTACTGTCAATCCCCTATTGAAGAAAGTGTGACACTTCTGGTTAG  
TTTCATTAAGCGTCCTCACCAAAGCCTAGCTGGCATTGGAATTGCTGCATTTGTTGCTTGATGAGCAATGCTG  
GAGATTTATTTTCTGAGGAGAAGTGGCAAGAAGTGGTATTCTCATTAAAAGAAGCAACAACCTGCGACACTTCC  
CGATTTCACTTTCCTAATGAACACCAATTCTACAATAAGGAGCCACAGGGTTGAGTTAAACGAGGAGAATAAT  
GCAGAGACCAATGGTTCTGAGTTACCTGAAGATGATTCGGAAAGCCTGACAGTGCAACATGTATACACGTCA  
ATATCCGATGCCAAATGTCGAGCTGCTGTTCAACTTTTATTGATACAGGCAGTTATGGAGATCTACAACATGTA  
TAGGTCTCACCTTTGACTAAAAACGTGTTGGTCCTATTCGATGCTTTACACAGTGTAGCATCTCATGCTCATA  
GCATTAACACCAAGTGGGGCCATACGTACAAAGCTACAAGAGTTTGCCTCCATAACACAAATGCACACCCTCGG  
CTGCTACGGC

>trans\_c\_3003 XM\_002878371|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata arginine/serine-rich splicing factor  
31 (ATRSP31), mRNA

ATCTTCGTTAAAAAGACTCTGCCTTTCTCTTCCTCTAGGGTTTCTCTGTTCTGTTCTGAATCCGAGAATCTGCAA  
GTACGATCGTTTGTAGCAACGATGAGGCCGATATTTGTTGGGAACCTTGGGTGTGACACCCGGCAATCTGAAC  
TGGAGCGCTTATTCTCCAAATATGGGAGAGTTGAAAGGATCGACATGAAATCTGGGATTTCTTCTAAGGAAAA  
TGAGCCAAGCTCCTATCTGGGCTCACCACCATGACACCATCATTCTGATTTTCTTCAATCAATCATTCGTCATT  
CATCTACCTCATCACTTAAGTTGCAATACACCAGAATCGTCTTAATGGATTGATCTTTATCTCATGCCTCATCAA  
TTAAGTTGCAATTCATCAGAATCGTGTTAATGGATTGATCTTTATCTCATGCCTTGCAAATCTATCACCCTGAT  
CATAGGACATCACTGAAATCTGATCATGCCTTCATATCTGAACTCGTGCTGTGTGAAGGTGAAGGATAGTTG  
AATTTTTGGATTAACCTTAAGTAGGCAACCATCTTAGTCCATCATGCAACGTCTCTACCGCTATATGTGCATC  
AGTCCTCCCATATTTGCAGGTTTTGCCTTTGTTTACTTTGAAGATGAGAGGGATGCTGAAGATGCCATTCGGGA  
CTTGATAACTTGCCATTTGGTTATGATAGACGCAGATTGTCTGTGGAATGGGCCAGGGGTGAACGAGGTCGT  
CATCGTGATGGGTCCAAGTCAATGGCAAATCAGAGGCCAACAAAAACCTGTTTGGGAACAATTCGACCCCA

TCCGTACAAGAGTACGTGATATTGAAAGACACTTTTGAACCCTATGGGAAAATGCTCAATGTTTCGGATCAGAA  
GGGACTT

>trans\_c\_3004 NM\_001069008|Oryza sativa Japonica Group Os08g0556200 (Os08g0556200)  
mRNA, complete cds

AAATTCATTCTCGTTCTGCGTGCGACCTCATCTCTCTCACTTATCTTCTTCTCCTTCACGATACCTATCCGCCG  
CCCCTACAGTCTTGTCCCGTTACCTCCCACCATCGTCCCGCCGTCAGCTTCTTCTTCTCCGTGCACCGTCCG  
AAGAAACCTAGAGGAGTCCGAGCCGCATCCAGCGAAGCCTTCTGCTGGTTGCGAGCCGGTGTTCCTCCATCC  
ACCGTCTGTGTCCTCTGTCCGTGAACTCCAAGCGCAGCCGCTCGCCGTCGTGACCCATTCTCCATCCTTCGAA  
GGCGTCAAGACAGGGATCCGTGGTTTCATCTTCAACCCGAGCCAAGATCTCTGTCAATCTAAGCTGAAACGCT  
CGTCAAGCCATCTCTCAGTCCCCGAGCCACGCGTGCACCGGTAACCTGCCGTCCGAGCCGATCGTTCTTCTCCTT  
TAGCCGCGCGCGCCGAGTTGCTTTCCAAGCCGAGCCGCGCAGCTAGTCTTACCTTGTTCTTCAACCATTTAA  
GCTCTTTGTGGTTATATGGCTGATGATAAAGTTGACATTATTAGGCCCTTAGTAGAAGCAAGTACAAACAGTTT  
TAAGATAGAAAAAGCGGATAGACTCATATTAAGGGGTTTAAAGTTTCACGGTTATCATGGAGTACATCTTCAA  
GAAAAGGAAACGGGACAAACTTTTTTGGTGGATGTGGATGCTTGGTTGGATCTCCGGGCAGCTGGAAAATCT  
GACGACTTGAGTGATACTGTAAGCTACACAGCAATTTATCGCATAGCAAAGGAAAGTATGACTGGGACATCA  
CATGATCTTCTGGAAATCACTGCGGAGGAAATTTNCTCAAAAATTATGATTCATTACGACCGAGTAACTGCAG  
TTAGAGTAAA

>trans\_c\_3005 BT025164|Arabidopsis thaliana At4g28820 mRNA, complete cds

AAAGATTTTATCCTCAAACCTTCTTTCCCTCGAAATCACTCCCTCGGGCTCAACTCCCTCACTCGCTCGTGCGT  
CATTGCTCTGCCCTGTGCGATGATATCGCCCCATGTCTGCCATCGTCTCTAAGCCTCGGTAAGCACAGACGGA  
CCTCTCCATCTCTCTTTTTAAGTGCGAGATTCCCTCACCCGCCGTTACCCCTCAATCCCTGAACCTTGATCGCCG  
ACGCAGCCCAGTCGTGACTGCCGTGCCACGTCCTAAAACGTTTTTTCGACGAGCAGCTTAGAGTTTGAATGT  
GCTTAGCACTCCGTCCAGCAAGATTAAGGACGTTAGCCGGGCATTCTGTGTTAGTTTGAACCCATTCAAACAC  
GACCAACAGCATTTAGGATTAAGAAATTCATCATTCTATGGCTCCTCGGGAATGTCAGGTCTGCAATGAAGCA  
CCATCCAAATACAAATGCCCCCTATGCCTTGACCTTACTGCTCTCTGGTTTGTTTTAAGAAACACAAAGAAGT  
GCCCTGTGCCATCAAGCCTGTGTCTGAAGAGGACCAATCAACTGCTCCCAATGGATCATTGTAGATAGGCCA  
ATATGTGTTGGAGACCAGAATGAAGTACCTGAAAAGTTCGAGTTAGAGGCTATTGCTTCTTCTCAGAAATAC  
ACAATATTTTGAATGATGAGAACTCCGGAAGTTTATCCTTGCCATTGATAGCTCACTCGATCCAGAACTGAA  
CTTGATAAAGCTATGGAAGATGAAGCATTTTCGATTTTCAGTAGCAAGATATCATCCATCATCAGCTCTTAGAC  
CTAATAGTCATAGATGGAGGAGGGAAAGAAACAGTTTACCAAGACATGTATATGTATAAACAACGAGACGTT  
TCTGCCCTT

>trans\_c\_3006 AY063790|Arabidopsis thaliana At1g48450 mRNA sequence

TTTGTTTCGGACGTCAGACTTGAAATTCAGCTCTCCACGTCTTCTTTATTTCTCCATTTCTTCTCTCCGGAACCG  
TCCATCCACCACCTTCTCTAGGGTTTCGCTTATTCTCCGGGCTCGCATGGAAGCTGCCATGGCAACTGTGATT  
GGATCTCCTGTTGGAGCCTTTGCTCGCTTAAATTATACTGGAAGATCGGGAATCTTCGGCAATGGACTTGTTTT  
TGTCCGCTTTCTTCCCTATCGCATGTCCCTATTCGTCTATGCCCTCAAGTATCTTACTCCAACTCTGGAATAAG  
AAATTGGGCACTGGAATTAGGAGAAGCACGATAGTTAAGGCATCCATGGATGCAGAGTCATCTGAATCAGGT  
GAACCTATTGCTCCCTTCAGTTGGAGTCTCAATTGGGCAGTTTTTGACCCAGATCTTGGTTAGCCATCCCAT  
CTTGTTCTGCTGCTGTTGAGCAACAGCTTGACCAGCTTCAAATGACCGGGATGCTGAGGGGAATAACGAG  
GCTTCTGGTTCTGGTACTGATTTGGTTTTGTACAGGAGAATTGCTGAGGTCAAGGCAAATGAAAGAAAACAAG  
TTTTAGAAGAAATCCTATATGCATTGGTTGTACAGAAATTCATGGATGCTAATGTTCCCTGATACCTGCAATA



ACCCCTTCATCATCTGATGTTTCTGGCCGAGTCGACACTTGGGCTGCTAATGATGAGAGCCTTGAGCATCTTCA  
CTCGCCTGAAGCATATGAAATGATTCAGAACCACCTCGCTCTCATCCTTGGGAACAGGGTCGGCGACTCAACC  
TCAGTAGTACAAATAAGCAAACCTCAGGGTTGGCCAGGTCTATGCTGCTTCAGTGATGTATGGCTACTTTCTTAA  
GCGANG

>trans\_c\_3007 NM\_129272|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT2G37160) mRNA, complete cds

TGGTGTGGCTTTTGATTCATATTGGTCATCACCAACTTCAGACGACACAGAGGAAAATGTTGTTTACCGGTTTG  
GTTTCAGTTGGTCAGGACACACAATTGCTCTTGTGGGACTTGTCAATGGATGAAATTGTGGTTCCTTCGCGC  
GTGCCCTCCCGTGATCCCCGACGTTTAGCACTGGAAGCCAGTCAGCTCATTGGGATAGCATTACCCATTA  
GGCACTCTTCAACCTGCTCCATGCATGAGGGATGTTCTAAACTTTCTCCAGTAGTAGCTACCCGTGTCCATAC  
CGAACCTTGTCTGGCTTACTATTCACCAAGAGTCTATCCTCACAGCATGCCGAGAAGGACATGTGAAGATT  
GGATGAGACCGTCTCTGAAACACAGTCGAGCAACTCGGAAGCCCTCGTCGGTCTAGCTCGTTGGCAGGTTT  
CAGAGTTGGCTCATCTACTTTGAAATAGTGTTGGCGAAATGCAGTTTCAACATACCGGGATCTCGCTTGACAT  
GATTATGCCGTTCCACCCAGTTGGGTCCTGCTATTTGGCGAATGGTGACGGGACAGTTTTTCTTTGAGGTCT  
TCCTTATTCTCTAGAGATTAGGAAAGAGTATTACGTTTGGTCAGCATATTGACTCGCTGCGAATTTGCAGTGG  
ATTAACCAATGGCTCTGCTTATAAACTCTTGTGTTGACATATAATATGCCATAGTAAAATGCACAGGCTATTG  
TTACACATCGCGGAACGTAACATAACTCATCGATTAATAGGCAGGGGGGAAGATGACAAAAAGTAAGTTTA  
TTGAGAGAAGACGAAAGGTATATCAGTGCCTAGTTAATAATCATTTTATGCCATGGAATTGCCTCTAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_3008 AB538233|Moss transformation vector pPHG-NMyc3 DNA, complete sequence

ATTTATCAATGAGAATGCCATCAATGCCATCAAGTCCCTATTCGGCTTCAAACATAAAAACAGACTCTTCTAC  
ATTAATCGTTTATTAACAATTACATTCTTGTGTCACAACTTGTATATAAGTATCCTGAGCTTCTAGCTTTTAG  
ACGAGTAACAAAAGAATTTCAAGGGAATTTGTTCCCATAGGAAAAAACTTTACGTATTCATATTGGTGATCCT  
ATACACAGTATAGCTATGTTGAAGAAACCTGCTTGAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTA  
ATAAAACCCCCAAACCCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCAATCCCCCAAAGGGGGGCCAAAAACCCCCCCC  
CCGGGCCCTTTTAAACCCCGGGGCGGGAAAAACCCGGGGGTTCCCCAATTAAACCCCTGGGAAAAAA  
CCCCCTTTCCCCCGGGGAAAAAAAGCCCCCCCCCAATCCCCCTTCCCAAATTTGCCCCCGGAA  
AGGGAAAAGGGGACCCCCCTGAACCGCCCAATAAACCCCGGGGGGGGGGGGGTAACCCACAAGGGGAC  
CCTAACATTTGCCGCCCCCAACCCCCCCCCCTTTTCTTTTTTCCCTTTTTTCCCCCACGTTGCGGGTTTTT  
CCCTTAAAGTTTTAAACCGGGGGCCCCCTTAGGGTTCAATTTTGGGTTTTACGCCCCCCCCCCCCCAAAAA  
CTTAATAAGGGGAAG

>trans\_c\_3009 NM\_128003|Arabidopsis thaliana DNA repair ATPase-related (AT2G24420) mRNA,  
complete cds

AGGAAGGCAAAGTTTGAGGCAGCTTCAAAAATTAAGAGTTGACAGAGGTTTCATGGTGCGTGGCTCCACCT  
TGGCTTGCTTCACATTATGGCCAGTTTCAGTCTTTGATCAGAACACATTGGAATGAGCATGCAAAACCTGCAAT  
TGATGTAGTAATTCAAAAGGCTTCAGATAAGACGGCACAAGCAGCAAAATGGGCCGAACCCCATGTCAAAAC  
AGTGAAAATAAAATATATCCCGGTCTGTAAGGAAAGATGGTTGGTAGTAAAAACAAATGTTAAACCACATAT  
CGAGACATTAACTGCAAAAAGTGTAGAATTTATCAACATCAAGAGTGTGATAACTCCTTATGTAGTTAAAT  
CTAAAGAAGCTATTCGTCCGTACTATCTGGAAGGTAAGAAATTCAGCAAGCCATATATTGATCAAGTTGCTAC

CGTTACGAAACCCACGTAGAAAAGGTTAGGGTGGTCTGAAGCCCTATACAAAGAAATTAGTTCGTGGATAT  
GGAAAATTTCTAAAATCTGCGGCTGTATATCATCATAAGGTTCAAGGTGCCGTTAAAGAGACTCTCAATAAAC  
ATGAATTGACCAAGGCACTCGCGACTAGAGAGTTGGAATGGTTTGCGGCTTCTGCTATATTGGCTCTTCCTATT  
ATTTTTCTGTTCAATATGATCTCTGCCCTTTTCTGGAAGAAAACAAAGAAACCTACTCGAAACACCGTCCACAAT  
GCACGTCGTAAGGGTAAAGAGCGCATTCTGACAAGTAGAGTATGATGTTACTTGTCAAGCTCTTGTGAGATC  
ATTTTGAGTTCACACGGAAGCCTTCGTGGTTATTGAGTGTCTCTTGGCCATAAACTATTATTTTAAATTTTGT  
TCTTTTGAAG

>trans\_c\_3010 BT025768|Arabidopsis thaliana At1g55265 mRNA, complete cds

AAACCAACTTTCTCCCCATTTTCTTCTCAAACCTCCATCAATGGCTTCCTTCTCCAGAATCCTCTCCCCATTTTCA  
CTATTTCTTCTGATTCTTGTCTCACTCAAACCCACCTCTCCTTTTTCAGCAAGGGATCTTCTCCTCAAGTCAT  
CTGATATCCACGATCTTCTTCCCCTTTACGGTTTTCCAGTCGGTCTCTTACCCAGCAATGTCAAGTCCTACACTCT  
CTCAGACGATGGTAGCTTCGTAATCGAACTCGATAGCGCTTGTCTATGTCCAGTTCGCTGATCTGGTCTATTACG  
GCAAGACGATCAAGGGGAAATTGAGCTATGGGTCATTGAGCGATGTTTCTGGGATTCAAGTCAAGAAGTTGT  
TCGCCTGGCTTCTATTACTGGAATGAGGGTTACTTCAGACTCTAAATCCATCGAGTTTCAGGTTGGGTTCTTG  
TCTGAGGCTTTGCCGTTTCAGCATGTTGAGTCCATTCTACATGCAGAAAGAAAGCTTGCTAGAAGGGAAAA  
CAGAGGCAGTGTGAGGTGGAATAATAGCTTTCCAAAACGCTTATCCTTTTCATTGGGTGAGAGAAGCATGTT  
GGTCTTTGCAAGAAGAATAATGTAATCTTTGTTTTATGTCATGAACCTACGGTGTCCATTTTAATCTTTTTCTT  
ACATGTTTCATCTATATTTATATCATATCATAAATATTCTCACATGTTTACCTAATGTTTTCTTCAATAATATTATC  
TTTTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTGGGAGACGAGGAAGTGTGTGCAAAAAATTAAAAATTAA  
GCTGTGTATATGTCAAATGTTGGTCCCGATGATCTGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3011 XM\_002869038|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L11 family  
protein, mRNA

ATTCTATTTACAGGGAAAGGAAGTTCCGGCGAACAGCTATGGCCACCTTGAAAGAGATTCTCACCAGACGAC  
CCGTCTCTGCCACCATCAGGCTCACCGTCCCTGCCGGTGGAGCTCGCCCTGCGCCACCGGTGGGTCCAGCGCT  
GGGTCAATACCGGCTGAATCTGATGGCTTTCTGCAAGGATTTCATGCCCGGACTCAAAGTACAAACCTGAC  
ACACCCATGGCCGTAACCATTACAGCTTTCAAGGACAACACCTTCGAGTTCACCGTCAAATCACCGTCAGTCAC  
TTGGTACTTGAAGAAAGCTGCCGGGATCGAATCTGGGAGCAGCCGCCAGGCCACGTAGTCGCCTCCACGCT  
CTCAGTCAAGCACATTTACGAGATCGCCAAAGTCAAGCAATCTGATCCTTATTGCCAGTACATGCCACTAGAAT  
CCATTTGTAAGTCCATTATCGGCACTGCCAATAGCATGGGAATTAAGTCCTAAACGAATTAGAGTAATGCAA  
CAGCTAAATTTCTAGGGTTTTTTTTCTCTTATTGTTCTTCAGTATCTCGATTTAAATTGAGGGTTTTTTCAGTG  
ACCTACATCTTCTTACTGTGAATCAATGTTATTATTCGATGCTAAGTCGGCTATCTATTCTGACAGCTTAAG  
TTTCTCTAAATTCGTTAGAAATTGAACCAATTCCAACGATTTGCTCCTGAATGTCAAGGAAATGGGGCAAGGAT  
AATAGCTAAATAAAAGCTATCTTTCATCATTAGAGTTTGCTATGGAACCATGGCCATTCTGTGAGTTGTGAACT  
GATTTTCATTTTGATGAACCAGTTAGTAATGAACTACCTCCAATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_3012 X96791|V.vinifera mRNA for arginine decarboxylase

AAGGCTGTTGGAGAGTTGGACTCTGTTAGAACCTACCATGTGAACCTCTCTGTTTTACATCAATTCCGGATTT  
CTGGGGTATCGACCAGCTGTTTCCAATTGTCCCCATTCATCGTCTTGATCAGAGACCAACCGTGAGAGGCGTG  
CTGTCTGATCTTACCTGTGACAGTGATGGTAAGGTTGATAAGTTCATTGGTGGTGAGTCGAGTTTGCCGTTGC  
ACGAGCTGGAAGGCAATGGCAATTTGTCAGGTGGAGGAGTGGGCGATACTATCTGGGATGTTTCTGGGC  
GGGGCTTATGAGGAGGCTCTCGGTGGTGTTCACAACCTGTTTGGTGGCCCGAGTGTGGTTCGGGTGATGCAG

AGTGATGGACCGCATAGCTTCGCGGTGACTCGCACTGTGCCTGGGCCATCATGTGGGGATGTCCTCCGAGTG  
ATGCAGCACGAGCCCGAACTCATGTTTGAGACCCTCAAGCACCGAGCTGAAGAGTTTGGACAGGAGGATGAT  
GATGGTGGTGAGGGCATAGCTAATAGCTTGGCCATGTCCTTCGCAATATGCCTATTTGTCGAGTGCATCTTC  
CTGCTGCAGTGAGACTGATTACAATGGTGCTGTGGATTCTGGTGCTGGTGATGCCGAGCAATGGACTTATTGT  
TATGCTTAACAAAGTTTGTTAAGATTTAGGCGTCTCAGCCATCCCTAATTAGCTATTGCATTTCTTCTCTAGTA  
GGTCTGTTTTTGTGTCCTTATGGGTCCGTCGATGTATTTCCATTAATTTCCCTTTTCTATATTTTGCAAAAAGAA  
AAAGAAAAAAGAAGCTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3013 XM\_002868345|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA recognition motif-containing protein, mRNA

TCTTAGTTTCTTTCAAATTTCTCCAAAGCTCCAACCTGTACAACTTCCTCTCTCTTTCTCTCTACAAGAAATTCT  
TCGAAATCTTCCATAATTTTCATCAGAGCTATGCAGTCTCAGACTCGGACGGTTCAAGTCAAGCACGTTTCGGA  
TCTAGCTACTGAGAGGGAGATTACGAGTTCTTCTCCTTCTCTGGAGAAATTGAGCACATAGAGATTCAATGT  
GAACAAGGGGAATCCAAGACTGCGTTTGTTACATTTACAGATCCTAAAGCTCTTGAAATTGCCTTGTTGTTATC  
GGGAGCAACGATTGTGGATAAGATCGTGAGCATAACTCCTGCTGAAAATCATGTACCAAGAAGAGAAATACA  
GGAAGTACGTGTTGCAGACAATGCTGCATGTCTCACGCCTACAGAAAATAATTCTCCTAGCCGTGAGGATTCT  
GCGAGCCAGCCTAGCAGTGGAATAATGTATGTTAATAGAGCACAGGAAGTAGTCGCAACTGTGCTTGCTAAA  
GGTTCAGCAATTGGACAAGACGCCATGAACAAGGCAAAAGCATTTGACGAAAAGCACCAGTTAACAGCCAGT  
GCATCTGCAAAAAGTATTATCCTTCGACAGAAGGGTTGGGCTCACGGAGAAATTAACAGTTGGGATATCAGTG  
GTTAACGAGAAAGTCAAGTCTGTGGATCAAAAGCTTCATGTTTCAGATAAAACAATGGCTGCAATCTTTCGAG  
CTGAGAGGAACTCAATGATACAGGCTCTGCTGTCAAAACAAGCAAGTATGAATCATCATTCTTGAGGAAACA  
TTCGTTATCTTTTCATTTGCACTGCTCTTTCTTTAGCTCGTCCCTTAAGAAATTTTACTTTCCTTCTGCTATN  
CTCAAATTTT

>trans\_c\_3014 NM\_123227|Arabidopsis thaliana APE1 (ACCLIMATION OF PHOTOSYNTHESIS TO ENVIRONMENT) (APE1) mRNA, complete cds

ATTCTCGTTTCTTTCTAACCAACCGAGCTTAGCTTCGCTTCCTCTCCGTTTCATCAGAGCTTCACAGACTCAACGG  
AGAGATTCAATGTCAATCACTGCAATATCTCCAACCTCCAGGTCTTTCTACTTCTCTCCATCATCAATTCCTCTCT  
CCAATCGCCTTTCCCTTCTCTCTCTCCCTTTCTCTCGTCCTAACCGCCCAATTCCACTTCCCGCGGTGGCAATTT  
CATCGCCAGAACCAACGTTTTTGTCCATTTTGAAACGAAAACGCTTCTGCACAAGCCTCACCGATTAGCTTTCA  
CTTTCTCTACTCGTGCTGCTGATTCTACTCAGCCCTCTGCAGTTTCAGCTTCGCCGATAAAGCAGTAGTTACTG  
ACGATGAATTCTCGCTTGCAGAAAGTTTCATTTGGTGTCATTGGCTTAGGTGTTGGGGTTTCTTTGTTGTCGTAT  
GGATTTCGGTGCATATTTTAATATTCTCCCGGGATCTGAATGGTCTGCCATTATGCTAACATATGGCTTCCCTCTT  
GCTATTATTGGCATGGCTCTAAAGTATGCTGAACTCAAACAGTGCCATGCTTGACATACTTAGATGCTCAAAA  
ACTGAGGGAAACATGCGCCACCCCAATTCTTAACAGGTAAGAGACGATGTTATTAGGTTTCGTTATGGGGAT  
GAACAACACTTGGATGAGGCATTGAAACGGATTTCCAGTATGGTCTGGCTGGAGGAATTCCTCGACGGAGT  
GCACCTATCTTGAAAGTATACGTGAAGAAGTCACAGAAGATGGGAAGTATTGCCTGGTCTTGGGGGTCGAA  
ACCAAAGCCTTGACATTGTCAGATTTTGAGCAAAGACAGGCCAAATTTGCTTCTTTTGGACCANGGATAAC  
TG

>trans\_c\_3015 NM\_123560|Arabidopsis thaliana binding (AT5G41950) mRNA, complete cds

AGCACGAGAAAAGCAGACAATTGTAAAAACAGCGATCAGTAAGTTCCGTGCTGCTATACAGTTGCAATTTGAT  
TTTCATCGAGCAATCTACAACCTTGGCACTGTTCTGTATGGATTAGCTGAGGACACATTAAGGACTGGTGGAA

CAGGAAATATTAAGATGTTTCCCCCAATGAGTTATACAGTCAATCTGCTATTTATATTGCAGCTGCTCATGCTC  
TAAACCAAACTACTCTGTGTATAGCAGCGCCTTACGGTTGGTCCGTTCCATGCTGCCGTTACCCATCTAAAA  
GTCGGATACCTGACTGCACCTCCTGTGGGGAGACCACTTGCTCCTCACAGTGATTGGAAACGTTACAATTTTT  
TTCTAAACCATGATGTATTGCAAAAGCTTAACATAGGAGGGGAACAAATACAAACATCCCCTAGTACTTTAGG  
AAGATCTGGAAGTACCTTGAATGGCGACAGGACAATCAAAGTAGAAATTCCTGATATTGTCTCTGTATCCGCA  
TGTGCCGATCTTACTTTACCACCTGGTGCTGGACTCTGCATTGACACAATCCATGGACCCCATTTTCTTGTTGC  
TGACTCATGGGACGCACTCGATGGATGGCTCGATGCAATTAGATTAGTTTACACGATCTACGCTCGAGGCAAG  
AACGAGGTTTTGGCTGGCATCATAACAGGTTGATTGATTATTACCAAATACACAAAATGTATCAATGATTCTAT  
CTTGATGTCTATATATTATGCTTAATTCACAATAGTAGATGGAGTATTCATTTCTCTAGATTGAAAACACACAAT  
TTTGGGGTGCTTTTCCAGTGCTTAAATACATGTTTCTCTAGTCACCTTTCATTTCAAGTGTAATAATAATTTG  
TGCC

>trans\_c\_3016 FJ906832|*Jatropha curcas* actin-depolymerizing factor 6 mRNA, complete cds

ATCTTCTGTCTTGGCCTCCGATTCTTGCCTACCATTCTGACCTTTCTCTTATTCCATCCTTCTTCTTCTTCTTC  
TTCTTCTTCTTCTTCTTCTTATTTTCTCAACTTTTACTCATCCCCTTCTCACATCCACCTCTTCTCCGATCATCAT  
GTCGTTCAGAGGCCTCCGACGGCAAAACACTTTATCTGCAATGGGTGTGAATGAACACACCAAGAAAACATTC  
TCTGAATAACAAAGAAAGAAAATGTATCGATATGTGATCTTTAAGGTTGATGAAAAGAAAAGAGAGGTGGTG  
GTTGACAAGATTGGCAATCCTGCAGAGAGCTACGAAGATTTCACTGCTGCTCTGCCCCGACAATGATTGCCGCT  
ATGCTGTTTATGATTTGATTTCTGACATCTGACAATTGTCAGAAGAGCAAGATATTTTCATAGCATGGTCT  
CCAGCTAGCTCACGAATCCGTGCTAAGATGCTGTATGCAACGTCTAAAGACAACCTTTCGGCACGAGCTCGATG  
GCATCCACTATGAAATTCAAGCTACTGACCCTGCAGAGATGGACCTGGAAGTGATCAGAGACCGTGCACAAT  
GAACATTCTCTGTTTGTTTAATTTGTTGTTCCCTTGGGGAATGCTGATATATGGTGGATCGACATGATGTTGCT  
GTCTGGTTGCTATGAATGCTTCGCGAATGAAGATAAGTTTGAATAAAAAATGGCTTAAATCTATCGAACCTT  
ATTATCATTGGAAATTTGTTCTATGATGGATCTGCCCCATTGTCTGGTTTTTTTTTTCATTATGCCTTTAGAATTTG  
CACTTTATGATGTGAAATGAAGAACATGACTCAGTGTACCGATTATCGAACATAGCATGTCTTGGAGCTGTCTT  
T

>trans\_c\_3017 X67310|*S.tuberosum* mRNA for beta-isopropylmalate dehydrogenase

ATTTGTTATTTAACAAAACATTTTTGGTTAAGACATTCTCTTTGATTATTTTTCTTCAATTCTTCGTCTCAATCAT  
GGCTTCGAGCTCCTCAAACGCGCCCTTAGAAGCCAATCGGGTCAGATCTTCTCCCTTCTTCTAACCTTACCTC  
TTCCTCTCCCTTCCCGTTTAGGGCTTTTTCTTCCGCAACTACTCCGATCCGAGCCACTCTTCTCCCGGCGATGGT  
ATTGGTCCCGAAATTGCGGCGTCCGTCAAACAGGTGTTTAGAACTGCTGATGTGCCCATCGAATGGGAAGAA  
CACTACGTTGGGGATGAAATAGATCCTCGAACTCAAAGTTTCCTCACATGGGAAAGCTTAGAATCAGTGAGAC  
GTAATGGTGTGGGTTTGAAAGGACCCATGGCCACACCAATTGGAAAAGGCCATCGTTCTTTAAACCTTACCTT  
GAGAAAGGAACCTTAATTTATATGCTAATGTGAGGCCTTGCTACAGCCTACCTGGTTATAAACTCGATATGAT  
AATGTAAATCTTATCACCATCCGTGAGAACACAGAAGGGGAGTACAGTGGACTTGAACATCAAGTGGTGAGA  
GGTGTGGTTGAAAGCCTTAAGATCATTACCGTCAAGCAAGTTTACCGGTGGCAGAATATGCTTTTCACTATG  
CCAAAACCTCATGGGAGGGAGAGAGTCTCTGCAATTCACAAAACCAATAATATGCAGAAAACCTGATGGTCTTTT  
TCTCAAGTGTTGTCGAGAAGTTGCAAGAAGTATCCTGAGATAAAGTATGAGGAAGTTGTCATTGATAACTGC  
TGTATGATGCTTGTGAAGAATCCAGCACTCTTGATGTATTGGGTATGCCGAATCTTTATGGTGACATTATTAG  
TGATCTCT

>trans\_c\_3018 NM\_106081|*Arabidopsis thaliana* glycerophosphoryl diester phosphodiesterase  
family protein (AT1G74210) mRNA, complete cds

ATATGAAGTCCAAGGAGTTAATATCACTGGTTTTTTTTACCGTTGATTCACATTAAAAGAATTACAGTCATTGA  
GGGTGAAGCAAAGATTTCTTACAGAGATCAACAATATAATGGAAAGTTTTCTATTACTTTTTGAGGACTTC  
ATTGCAGTTGCACTAGATGCACCCAGAGTTGTTGGAATATACCCCGAGATTAAAAATCCAGTATTTATTAACCA  
GCACGTCAAATGGCCAGATGGTAAGATATTTGAGGACAAGTTTGTTGAGATTCTTAAAAAATATGGATACCAA  
GGTTCATATCTGTCAAAAACTGGATGAATCAACCTGTATTCATTCAGTCATTTGCTCCAACCTCCATCATAAC  
ATATCAAATCTAACTGACCTGCCCCAAGATCTTACTGATCGATGATACTACAATTCCAACACAGGACACAAATCA  
GTCATATTGGGAAATTATTTCCGATAGCTACTTCAATTACATAAAAAAGTATGTGGTGGGAATTGGACCTTGG  
AAGGATACTGTGGTTCCTGCAGTTAACAACCTATATTCTAACACCTACAGATCTTGTTACCCGAGCACACGCCCA  
TAACCTACAGGTACATCCATACACTTTCCGAAACCAGTATAATTTTGTTCACCTTCAACTTTTCATCAAGATCCATA  
TGAGGAATTTGATTACTGGATCAACACAATAGGCGTCGACGGCCTCTTCACCGACTTTACGGGTAGTCTACAT  
CATTTTAAGAAATGGACCTCTAATCTCCCTCCCAAGGATGATGATGCGGATGAACAGAAGGCCTCTGATTTATT  
ACATAAAATCTACTTGATGATAAATCCATATAGAAGTCCTTAGGACAGACCATGTATTCGGGGTTTGGCTTATG  
CTGC

>trans\_c\_3019 NM\_180721|Arabidopsis thaliana UBP8 (UBIQUITIN-SPECIFIC PROTEASE 8);  
ubiquitin thiolesterase/ ubiquitin-specific protease (UBP8) mRNA, complete cds

AAATTTTAGTTATTCATTTGAAGAGGTTCTCATATAGCCGGTTCATGAAGAACAAGCTAGAGGCATACGTTGA  
CTTTCCTGTTGATGATCTGGATTTATCAATGTACATCGCCTATAAGAATGGCCAGTCTTGTACTCGATATGTGCT  
TTATGCAGTCAGCAATCACTATGGGAGCATGGGAGGTGGCCATTACACTGCATTTGTCCATCAAGGTGGCGAC  
CAGTGGTACAACCTTCGATGATAGCAATGTTTATCCATTGGCTTAGACAAGATAAAATCTTCCGCTGCATATGT  
TCTTTTCTACAGAAGAGTTGTAGTTTGATAAACTTCCAATTAGCCGAGTCATGATCATTTCTCCAAATTTGATGC  
TAATTATCTCTTACCATGAAGATCATCCGTCTCTCTCAATCCAAGTTTAACCACACAAGTGGCTCTGAGTATGGA  
ACAGAGTTCTCAAACCTTAAAGACGGTTCGACCGATGCCATCATCTTCATGCTTATATACCAGAGATCACAGA  
CAGGTCTTAGGGATACTAATTACATTTATTGGCATTACAATCTTTGAAGGAAAGGCATTAGCGTACGATTCAA  
GCCTAACTCTTTTGAAGATTTTTAGGGGTACCAACAAGTTAGGATATTGATTTTTTTTTCTTTCTATAGGAAA  
TTCCTGAATATTTTCAATTTGGTTAAGATTGATGTGCTGTGATTCTTTTGTAGTACTAATTGATAGATTTTGATCC  
CATTTTTTGTTCCTAAAATCATTTGTATTAATTTTAACTGGGTTAGCGTGAGATCCCCAAAATAACAACGAGC  
ACCTGCGCCGCCCGTGACAGCTAGTAATGTGATTCTTGAGGTAATATGAATGAATTATCATGATATTGGCTTT

>trans\_c\_3020 AY247755|Glycine max seed calcium dependent protein kinase b mRNA, complete  
cds

ATTGAAATTCCTCGGGGAAAAACAAATGCGTTCTCAATCCATCTAGTTTCGACGATTTAATGCTTGTAGGACAA  
TCCTTCAAGTTACCAGCGACGATGACAACCCAAATTTCCGATGCCCAGAATCAATAAACCGGACCAACAGCGA  
CTGTAGCCAAGAAAACCATTTCTTTTTCTGTTTTTCAATCATCAGAACCAATTTGATTCCATTTCTCATCTGGGT  
TTCATGGAGAAGCCGATCAAAGCATCGCAATCCTCTTCCACGAAGGTCGCCTCTTCGGTTTTGCCGTATCAGAC  
CCCTAGGCTCAGAGATCATTACCTTCTTGGGAAGAACTTGGGCAGGGCCAATTTGGAACAACGTACCTTTGT  
ACTCATCGAGCCACAGGGGACCTTTATGCTTGCAAATCAATCCCCAACGGAAGCTCCTGTGTAAAGAGGATT  
ATGAGGATGTTTGGAGGGAGATTCAGATCATGCACCATTTGTCCGAACATCCAATGTTGTTCAAATCAAGGG  
GACGTATGAGGATTCTGTGTTTGTGCACTTGGTGATGGAGCTTTGTGCTGGTGGTGAGCTTTTGATAGGATT  
TTGCTCAAGGGTCATTACAGCGAGAGAGAAGCGGCCAAGCTAATCAAGACAATTGTTGGAGTGGTGGAGACT  
TGCCACTCTCTTGGGGTTATGCATAGAGATCTCAAGCCTGAGAACTTTTTGTTGACAACCCTGGTGAAGACGC  
TAAGCTGAAGGCCGAGATTTTGGGCTCTCTGTTTTTATCAGCCAGGAACTCTTTCTGTGATGTAGTTGGTA  
GCCCATATTATGTTGCTCCCGAAGTGCTCCGGAAGCACTATGGGCATGAGGTTGATGTATGGAGTGCAGGTG  
TTATCCTCTA

>trans\_c\_3021 AY043232|Vitis vinifera pectin methylesterase mRNA, complete cds

TCGAGAATACTGCAGGAGCAGAGAAACATCAAGCAGTGGCACTTAGATCGGACTCCGATCTGTCAGTATTTTT  
TAGATGCCGAATTAGAGGCTACCAAGACACGCTGTATACGCACACCATGCGCCAATTTTACCGCGAGTGCCAA  
ATCAGTGGGACCGTTGATTTTCTTTTCGGCGATGCCACCGTCGTTTTTCAAACTGCAGCATCCTGGCGAAGAA  
GGGTCTTCCCAACCAGAAAAACACCATCACTGCTCAGGGCCGGAAAGACCCGAACCAACCCACCGCTTCTCC  
ATTCAATTCTGCAACATATCTGCGGATTCAGACCTTAACCCCTCGTTAACTACTGCTACGTACCTTGGAAG  
ACCATGGAAGGAATATTCCAGAACCATTATCATGCAGTCATACATCAGCGACGCCATTAGGCCAGAAGGTTGG  
CTTGAGTGGAACGGCAATTTTGCATTGAATACACTATTCTACGCTGAGTTTATGAATTACGGGCGGGGGCGG  
GATTGGCCAAGCGTGTCAATTGGCCCGTTACCACCGACTGAATCAAACAGTGAAGCCACTAACTTCACCGT  
GGCTCAATTCATTGAAGGAAACATGTGGCTACCGTCCACGGGTGTCAAATACACTGCAGGACTGGGAGCTAA  
TTAGTAAATCAACAATATGTGGTGCAATTGATGCTCGCTCCTATATATCTCACTTTCAAAATATACATAAAATGA  
ATTAACATTCAAAAAAATCCCTTGCCGTAGTTAGATGATACAATTTGGTGGACCCAGAAAGATCCTTTCTA  
GATATTTTGGTGTGTAATTAATAATTTTTAAGAAACCCCCCTAATCCCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_3022 NM\_001057316|Oryza sativa Japonica Group Os03g0648900 (Os03g0648900)  
mRNA, partial cds

AACGCCCAAATGACTGTTTCGAGTCCAATTCATTTCAACCACTCCTCTTCGTTTCGCCTCCATCTTCAACCTCCGTT  
CTTCTCCATTTTCCACTTCCAGGCTCTTGTTTTGCGGACGCCGAAACGTGATTGGAATGGACAAAGAAGGATTC  
TTACAGCCTGCGGAGGCAGTTGTCGCCGATTCCGATTTGCTGAAGAAGAACTTGATGCTTTGCGTTTTTCCG  
GTCCGCAGAAGCTCCAGGTTATTGCCGATTTTGATGCTACGCTAACGAGGTACTGGATTGATGGCTGCCGTGG  
TCAAAC TAGTCATGGTCTTCTAAAGCAGGGGAATCCTGAATATGACACTAAGAGGGATGAACTTTATAAATAT  
TACCATCCCTTGGAATATTCTCCTACAATTTGATAGAAAGAGAAAACCAAGCTCATGGAAGAATGGTGGGGCA  
AAAGCCATTCACTTCTGATTGAAGGAGGTCTTACGTTTGATGCAATAAAGCAATCAGTTGCTGCTGCCACTATT  
GCTTTTAGGGAGGGAGTGTTGAGCTGTTTGAACCTCTAGAGGAAAAGGGTGTTCTGTTCTTATATTTTCAG  
CAGGCCTTGCTGACATTATAGAGGAGGTCCTGAGGCAGAACTTCACAGATCTTTCAAAAATATTAGGATCGT  
TTCAAATAGAATGGTGTTTGATGATAATGGTTGCCTTGATCATTTAAGGGCAAGACGATTCATAGTCTAAATA  
AAAATGAGCATGCTCTTGATATGGCTGCTCCTGTCATGACCAATTGGGTGATGTAGATGGCGCAATTAATGA  
CAGCGCTTCTGTAAGAAACGGACAAATGTACTTCTTCTGGTGACACATTGGGGATTGGGGATGTCAGACGG  
TTTAAACTA

>trans\_c\_3023 Novel Gene

AAAAACGAGAGTTACGGGATTTTACTCAAAGGCTTCACCACTTCAGTTAACGGCTGCAATGAATGCTTTATCG  
GTGTTTTTCTTCCGATGCCGCCATCACTGTTAGTTAACGTGATGACGGTGGTGAGTTTCGGCGGTGGTAGCGG  
TCATAGGGCTTTTCGGAAGCGAGAGGAACGCATTTGCAGTATTCGAAGTTCTGGAATACGAGTAATAGTGCTA  
CGAAATCATCTAACTCAGAGCAACTCAGGATTTCTCAAGATTAGGGATGCTACTGCTTTATACTCCTGCAGCT  
CTCGCTGGCGCTGCGTCTTCTGGTTCTTCCGAACGACGATTGGAGAGTTCTTCTGCTTAAGTCAGCTCTCAC  
TCTCCATTTCTTCAAGCGGACTTTGAGGTACTGTTGTCCACAAATACAGCGGCAAAATGGTACTCGATTGAG  
CATCCATAATCTCCCTCAGCTACTTCTTCTACAGCCCTTATGATATACGCTCAACAGCTATCAAAAGCACTTC  
CAGAGCCAACCATCGATCTGAAGAACATTGGAATTGCTCTGTTTCTAATAGGCATTATTGGTAACATGTACCAC  
CACATTCTTTGTCTCAAAC TAGAAAGAAAGGAGAAACAGGCTACAAAATTCCGAAAGGTGGCCTCTTCGGCA  
TCGTCATTTGCCCTCACTACCTGTTGAAATAACCGTGATTTTCGGCTTCGCTCTCATCTCTCAGACATTTTACTC  
GTTCTTCTTCGCCATTGCCACTGCTATCTATCTGGGTGGAAGAAGCTACGCCACATGGAAATGGTACGTCTCTA

[illegible]

AGCTCGACGCCTTTCTCAATCAAAGGTTGATCCTTTCTGAAGAGAAAAGATTACTGGCAAAAGAAAAGAAGGC  
GTCAATAGAGTACTTTAACAGCACACTGAAGCGCCACGTACTTGTCTTGAAGAAAAGGGATATAATGAGAAG  
AAAAGCAGAGGAGGAAAAGAAGAAGGTAATAAGCCAACCTTTAGCTGAAGAAGGCCTCGAGCTCGATACAG  
ATGATGATGACCACCT

>trans\_c\_3027 Novel Gene

AGGATTTTTATCTGCTGCGAATCCTCTCTCCTTGAAGAAGACCGAAGCGTTTATGAACAAGTTCGCTATCTTTT  
CTTCCTTTCCAGGGAGGTCAGTTTCGGATTCTTAAGTTTATCGGCGTTCGTTGATTTTCCAACGTCGAATTCTAA  
TCGATGCAATTGCTTTATGTGGGTTTCGGGCCCAGGCCTTAGATTCCGGTCTGTTGTAGAATTTAGGTCGTTGCCT  
TCTCTGTATCCGTTGTTTCATCGATTTCTGCTGCTGCGATGTACCACGATGATGCTTCTGGCCCAAACCTTCT  
TTCGTGCCAAGATTGCGTCGCAGTGGAAGAAATGGTGAGGATCGCTCCCTTCCAATCGTTTCATTGTGCTGC  
GCGATCCTTCTAACTCGGGCGTTGTTAGTAATAATGGTATTGGAGCTGGAGGAAATTATGAGATTTTCTGTGA  
CGATGGTACTGGGGCGAGCCTTCGTCTTTACCTTCCAATATATCCGAGTTCTTGATGGGATCGGGGTTTCGATC  
GTCTTCTCAATCAGTTGGCGGAACTGGAGGTGAATGCGGTTAGCCCATTTGAAAACCCACCGGCTTCGAAGG  
CTGCGATTGAATCTTGCCTGTGGTTAAGATTCTTGCTAGCCATGTGCCTATGGAATCACATTGTGCGGTCTGT  
AAGGAACCATTTGAGCTCGACTCTGAGGCTCGAGAGATGCCGTGTAAGCATATTTACCATTGGATTGTATAC  
TCCCTTGGCTTTCTATCCGGAATTCATGTCCTGTTTGTGCGGCACCAATTGCCTACCGATGTGCATAGCAGTGGA  
AGGAACTCCCCTGCTTCTGCTGAAGAAGTTGTTGGACTAACAATTTGGAGGCTCCCCGGTAGGGGGTTTGCTG  
TTGGA

>trans\_c\_3028 EU189947|Medicago truncatula SINA3 mRNA, complete cds

AGGAACGGCGTCATTTTGAAATTTTCCCTGTCGTTGAGCTGCAATAACCTTCACTTTTTGGCGTTCGTATTTCC  
TCCATGCGGTTGTTGAGTTTCTCCTTTCATTCTCACAAAACCTTACTTTTTCAAGCTTTCCTGCTTTTCAATC  
ACTGTTTCCTCGCGATTTTAGGTAGAAGTATAAACTGGTCTCTTAAGAATGGCATCTGGAAGTCCTTATTTTG  
ATGATTTGCGGAGCAAACCAGAGGTTATTGATCCTCCTCAGAATGAAGATATGATGGATATCAGAGAACTGT  
GGACCATCCAATTCAAAATGAACTTAAACCGAACGTTGCTGTTTCCAGCAGTGTTGCTGAGCTTTTGGAATGTC  
CAGTGTGTTTGAATGCAATGTACCCTCCGATACATCAGTGTTCAAATGGACACACACTGTGCTCTGGTTGCAAG  
CCTCGGGTGCATAATCGCTGCCCTACGTGTAGGCATGAACTTGGCAATATTAGATGCCTTGCATTGGAGAAGG  
TGGCGGCATCTCTAGAACTTCCGTGTAAATATCATACCTATGGTTGCATTGGCATATATCCATATTACAGCAAG  
GTTAAACATGAATCCCAATGTGTTTATAGACCATATAGCTGTCCATATGCTGGTTCCGAATGTTTCAGTCGTCGG  
TGACATACCCTATTTGGTGGCCACCTGAAAGATGATCATAAGGTAGACATGCATAGTGGAAGCACATTCAAC  
CATCGTTATGTAAAATCAAATCCTCAAGAAGTTGAAAATGCAACATGGATGCTAACGGTTTTTCAGTTGCTTTGG  
TCAGTACTTTTGTCTGCATTTTGAAGCTTTCCAGCTTGGGATGGCTCCAGTATACATAGCTTTTTTACGGTTCAT

>trans\_c\_3029 NM\_122210|Arabidopsis thaliana CDF1 (CELL GROWTH DEFECT FACTOR 1) (CDF1)  
mRNA, complete cds

ATTCGCCCAGATTTGCAATATCCCTTTCTAGCTTCTCGCTTCTATCTCCCATGGTGTTTCATCAAACCTTAATTT  
AGGGTTTGTTTTTTCTTCTATTTCTTGTGCGTCTTCTTTATCTCTGAAGAAGAAGAAGTCGAACAAGAATG  
GCTTCCGTTTCAATCACTAACTTGATTTGGCCACCCCTTTCTCGCTCAAATCTGCCTGGTGCCTTAACAGG  
TTGAATGGTAAACCATTTTCGCGCGTTGTTTAGAAGCCCCAAGTGTGTTTTGGATACACCATATGAAGGTAATGT  
CACAAAGTTCCCTCGAATTCGTGTTTGGGATCCATATAAACGCCTTGGTGTAAAGTTCTGCTGCTTCAGAGGAAG  
AAATTTGGAGTGCACGGAATTTTCTTTTGCAGCAGTATTCTGGTCATGAAAGAAGTGAGGAATCTATAGAAGC  
TGCTTTTGAGAAAAATATTGATGGCAAGCTTCAGCATAGGAAAAAGACAAAGATTAATTTGAAAACCAAGTTG  
AAGAAGCAAGTAGATGAGTCTCCACCTTGGATTAAGAACTTACTGAATTTGTAGAATTCCTCCAACCTGATGT



TATCTTCAGAAGATTGTTTCTTTTCGCATTTATGGGTGGCTGGAGTATTATGAACTCGGCCGAAGGTGGACCTG  
CTTTTCAGGTTGCAGTGTCTTGGCGGCTTGCATATATTTCTAAACGAGAAGACAAAAAGTTTGGCTCGAGCT  
TCCATTATAGGATTTGGTTCTTGTGGTCGGTTGGGTATGCGGTTGTTGGTTGGTCCGAGTATTCCTTCGT  
TCTATTGCAGCCCGTGGTCACTCGAACTTCTACATCTCTAGTAGTATACTTTCTTCTTGTCTTTTCTGTACTT

>trans\_c\_3030 NM\_001051694|Oryza sativa Japonica Group Os01g0911200 (Os01g0911200)  
mRNA, complete cds

TAGATTTCTTGGGTTGGTCGAGAAGTTTTCTATCTCTCAGGTCGATACGACATTCAGTTAACTGTTGGTGAT  
GCCATCATGGAGAATTCTTTCTTACGGGTCATTGGTCATATTGACTTGGATCTACCTGAGGCACCAGAGAAGG  
CAGCTCGTCCACCTCTACAGCCTGTCGATCTTTACTCACGTTACGGGCCCAAAGCTGAGATAAGTCACATCTTC  
AGGGCTCCAGAAAAGCGTCCACCTAAGGAGCTCTCTTACTTTCTTGGGCCTCACATTTTTACCCTTCCTTGGA  
TTTCTGGTTGGGCTATTGCGATTGGGTGTGAATCTAAGAAGTTCCCGACTCCAACAGTACCTGCCACCTTCGC  
CTTTCTCTCCATCTTAGCATTGCAGCAGTTATCCTGCTTACACGTTCTTTTGGTTGAAGTTGGACTTGTTTACA  
ACCTTAAAAGCACTGGGCATCTTAGGTGTTCTTTTGGTATTTTTGGGACACAGGACCCTCTCCACCTTGCTTCA  
ACCTCAGCTAAGTTGAAATCTGCCTGAGATTGTGTTTTTTGATTTCTTTGGAGGAAAGAACTTTTAGGAAGTT  
ATACTTTCAAAGACTAGCCTTAGGCAGTCTCTCATATTTATATGGTTCAATCCAGGTTTTGTACACGGCTCAACA  
GTTTGGTTAGCTAAGAATAACAGAATATTTGTGCGCCTCCACTCCTACATGGTTGGTTTGGTGGTGCAATTGG  
GATAGCTTTTTAATCCGTAATATATCAGAAATTACAATTGAGATTAGAATAACATTATGGACATTTGTGCCCTT  
TAATTTATTATTTATTAGCTAGGTCAACCATATATTACTATCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3031 NM\_119746|Arabidopsis thaliana NRPB1 (RNA POLYMERASE II LARGE SUBUNIT);  
DNA binding / DNA-directed RNA polymerase (NRPB1) mRNA, complete cds

CAACATCTCCGTCTTACAGTCCCACATCACCTTCGTACAGCCCCACCTCTCCAGCATATAGCCCCACCTCCCCTT  
GCTATAGTCCCACGTCTCCAAGCTATAGCCCCACTTCTCCTAGCTATAGTCCAACCTCACCTAGTTATAATCCTC  
AATCAGCTAAATACAGCCCATCGCAGGCATACTACCCAGTAGTCCACGGTTGTCTCCTTCAAGTCCATATAGC  
CCAACCTCGCCCAATTACAGCCCAACGTGCGCATCATATTCTCCTACTTCTCCAGCATATTCTCCATCCAGCCCG  
ACCTACAGTCCTAGCAGTCCATATAATACAGGACCCAGCCAGACTACAGCCCTAGTTCTCCACAGTACAGTCC  
AAGTGCAGGGTACTCACCTACTGCTCCTGGGTATTCTCCATCATCTACTAGTCAGTACACTCCACAAACAAGTG  
ACAAGGATGATAGGAGTAGAAAGGATGATAGGAACAATCGATGATGAGAGTTCCAAAGCAAATATCCTTGAA  
GGAAGAGGGTAATTTGTAAATGTCAGGCCCTCGAATTTCAAACGAGAAGAGGCAAATAAACAACCAGATACA  
CCAAGGCAGCATGTTGCTCGGATTGGACACACTATTACATCACTTAGGCTTTCACAAGCTTGTTTCATTTCTGCTT  
TGAAGGATCTGTCAAACATATTACAAGCAAAAATTTCCCTCACAATTTTAGCCATACGTTCCATGTAATTTT  
GTACCCATGCCAAATAGTAGATCATTATTTGAATTAACCTGTATTTTGTGTGTTGATGTCGGAAGTCTTTTAAAA  
TGTTGTTCCCTTCTCAGATTAAATGATAATGTTTCTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_3032 XM\_002875256|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata plastid-lipid associated protein pap,  
mRNA

GCAAAAATAGTAACGGTTTGTTTTTCAGCAGATAAAAAATGGCTATGGCTGTGGCCTTATCTTCATCTACAGTT  
ACTCCGACCGCCAAATTCTGGCCTCCTTCAACATCGCAACCACCCAGGTTTCTTCTATTATTCCCTCAAACCCG  
TCTTCGAACATAACCTCCTCACTTCTTACCTTCTACAAGTGGAGGCTCAGGATCTCTTCTTCTGCTTTT  
TGAACAAAGGAAAAGGAAATAATGTTACTGCTCTTAAACAGGAAGTCTTTCAGGCAATTGCCCCCTTGATCG  
AGGAGCTGAGGCCACTCCTGAAGATCAGGAAATGGTTGATCAGATATCACGCAAGCTTGAAGCAGTCAACCC  
TATAAAGGAGCCACTCAAATCTGATTTACTAAATGGAAAATGGAAGCTCATATATACTACTTCCAGATCAATTC

TGCAAAGTGAAGAGGCCCAAGTTTTTTAGGTCAAGAATAAACTATCAAGGAATCAATGTAGATTCTCTCAGAGC  
TCAAAATATGGAATCTTGGCCGTTCTTCAACCAGGTACAGCAGACTTGAAGCCTTTAAATTCAAGAAAAGTA  
GCTGTTCAATTTGACACATTCAAAATTTCTGGTCTGATACCGGTCAAAGCACCTGGAAGAGCCCGTGGTGAAC  
TGGATATCACATATTTGGATGAAGAGTTGCGAATATCCAGAGGTGACAAAGGGAATCTCTTTATCTTGAAGAT  
GATCGATCCTTCTTATCGAGTACCTGTATAACACTTTAATCTCTCTACTTTACTAGTAGTATCCTTCTAAAGCCTG  
ATGTCTAAAGCCTGATGAAGCACTAAATCAGAGTGAATATTATGTTATTGTAAATTGATTCTCCTGATATCCTC  
ATAA

>trans\_c\_3033 Novel Gene

AGATTTTGCTGATTAATTTTGTGGCCATTTCTCCATTTTGTCTGCTCAAATTACTCCAATCACAACGACTAG  
AAGAAGCAATTAGCCAAATGTTAGGCACTGCGAATCTTGTATGGGCTCATCTTCAGCCGCCGTGGCTACTTC  
AACGCACTTTGCTGCCGTGAAATCTTCCGACCTCTGGAATCGGTCACCACAATCGCTTCCCAACTCCTTCATT  
GCCATTGCTTTTGCCTTCTACTTCTATTTTCAGCTCATGCTTCTTGTCTTCGCCACTTTCTTCTCTTTCTTCTCCCTT  
CAACACCGCAATCGCCGCCGTTAACTCCGATTCCGCCGATAAGCAAGAATCGATTAAAGTATTATTTCTAGTTG  
CAAATGCGAAGTTTATGCTTGATGAAGAGGAGCATTTCAAAGAAGCTTTTGTGTTGAGCGGCTTCGGAACATATGG  
CGAGCGTAACAAGGAGCAGGATTTTGGCTTGTCATTGAGCCTAAATCTTGGACAAGTTTCTAATATCACAA  
AGAGATTGCGGAGACCTGCCGTTGCTCTTGTTCACCGATAGTACCTGGATTACTTTTATGAAGCTGAGACT  
GGACCGAGTTTTAGCCGAAAGCTATGAAGCCAACAGCATAGAAGAAGCATTGGCTTCGACTCCGACGAACCT  
GGAGTTTGAGAAGCCTGAAAAGTGGGTGGCTCCTTATTCTAAGTATGAATATGGATGGTGGGAGGCTTTCTT  
GCCGCCAGTAACAAAAGCAGAAGCAAAAGTATAAGCTGTATGTAGCTTTAATTTATTTACCAGCCTTTTTTACC  
CTCTCTGATCAATTATGAATTTGATGGTGTGAGGATTCGTAAAACATTTGTAGTTGGAAGGCAGTTTTTTTTT  
T

>trans\_c\_3034 Novel Gene

CTCCATCCTAAGCCTAAACGAGCAGAGCAGAGAGAAGAAACCTCTCCCCTTTTTCTCTCTCTCTCACTCTTTT  
AAAAAGGAACTCTTCAGCTGGGGTTTTACTTTTCCATGGGATTCTGAGTTCTTCCATCCACATCCAGAATCGAG  
ATTCTCTCTCGGAGATATCTTTCCTCAGACTCTAAAGATGGATCCCCATGATGAGGCTGGATGCCAAGCTCC  
CCCGGAAGGGCCCTTCTCTGTATCAACAACTGTGGCTTCTTTGGTAGTGCAGCCACTATGAACATGTGCTCCA  
AGTGTCAATAAGATATGATGCTGAAACAAGATCAGGCTAAACTTGCTGCTTCATCTATTGAAAATTTTGTCAAT  
GGATCGTCTAGTGGCAGTATGGAAGTACCTGAAAGTGTTACTGATGGTGCCGTTTCTGTGGAACCGAAGACT  
GTTCAAGCACATGCACTGCCTGCAATGGGATCTGTGGAAGGTGAGAAACCAAGTGAAGGGTCCAAAACGTTGC  
AACTCTTGCAAAAAGCGTGTTGGTTAACAGGCTTCAATTGTCGGTGTGGTAATGTATTTTGTGCAGTTCATCG  
TACTCTGACAAACATGACTGCCCCCTTTGATTATCACATGGCTGCGCAAAACGCCATATCCAAAGCCAATCCTG  
TTGTCAAGGCTCAGAAGCTGGATAAGATCTAGATTTCTTGGCATGTATGTGTCCTAAATTGATGTTTCATATC  
CAGCTGTGAGATGGGCTTATGATATGCTGCAATCTATGTATTTTGTCTTATGTTTCATATATATGTTGAAGAG  
ATTGCACAGAAAATATATATGAATTCTGAAAGTTCTATTTGCTTTGTGATTCCAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_3035 XM\_002307948|Populus trichocarpa tubulin folding cofactor (TFCFB), mRNA

AGTGAGGATTGTGCTAAAGTCATCAACGACTCTCAAATGAGTGTCTAAGTGAAAAGAAGCTGCAAAAGAAC  
ACAACTATGGCGTCTCGATTGCAGCAGATCGAAAAGGATGAATCTGTGCTCTTGCCTGTACCCATGCCAATC  
TCAAGTCCTTCACATCCGATGTTTCGTTTTTCCCTTCAGATGAGCGTGGAGTCTGTCAAGGAAAAATTGTGGAGA  
AAATGTGGTACTTCTGTGAACTCTATGTGCCTCGAACTCTATGATGATTCGGGTTCTAAATTTCCGATTTGAC  
GGATAATTCCATTCCCTTGGGCTTCTATTCTCCCTTAGATGGGTACCGGCTGCATATTATTGATCTTGACCCCTC

ATCAGTTACTTCTGGTGGTTGGCTTGAAGATACCTCCCTAGTGGAGAAGTTCCAGATCTCTGAAGAAGCCTAT  
GATAAGCGTGATGACACATTTAGAAAATTTAAAGAAAAATTGGCATCCCAGAATCCTTCAGCGTTTGAGAGTA  
AAATATCTGATAACTACATGGAAGAGCTCTGTGCAATATTAAGGTTGGTGATAGATGTCAAGTTGAACCTGG  
GGAGAAACGGGGTGTGTGAAATTTGTTGGTCGGGCTGAATCGCTTGCTCCTGGTTTTTGGGTTGGAGTTCAA  
TATGATGAACCATTGGGAAAAACGATGGCACGGTAAAAGGGATCCACTATTTTCGATTGCTCTCCTCTTCATG  
GTGCGATGGTTAGGCCCGACAAAGTGAAGGTTGGCAACTATCCTGAACGGGACCCTTTCGACGATGAAGAAG  
ATGAGATATGAACAGTTCATACTCAGATTGGTATTTGTAGCATTTGTGGAAGTACCAACCTACTTTCTGAAGC  
CTTGATGAATT

>trans\_c\_3036 DQ028774|Glycine max NAC domain protein NAC6 (NAC6) mRNA, complete cds

AAACACATTTATTAATTATTAAGATCACAGCTTATTCCATGGCGGACAAAGCTCATCATCATAGCTTCCATGGC  
CAACTCCCTGGCTTTCGATTCCACCCAAGTGAAGAAGAGCTTCTTGAATTCTATCTCAAGCAAATGGTTTTTGG  
GAAACGCCGCAATAGCTTCGATGTTATTGGATTTCTCAACATTTACCAACACGACCCTTGGGATTTACCTGATT  
TGGCGAAGAATGGTGAGAGAGAGTGGTATTTCTTTGTACCAAGAGATAGAAAGCACGGTGGTTGCGGCGGG  
GGACGGCCTAATCGGACGACTGGAATTGGGTACTGGAAAGCCACGGGGTCGGACAGGAGAATATTGAGCTT  
GTCCGATCCCAAAAGATTATTGGTTAAGGAAAACCTCTGTTTTCTACAAAGGAAGAGCTCCTAGAGGAACC  
AAGACTGATTGGGTCATGAACGAGTATCGTCTTCCTCATAATTCCTCTCTTCCAATAATGGACATAGTGCTGTG  
CAAGATCTATAGAAAAGCAACATCATTGAAGGTGTTGGAGCAAAGGGCAGTGGAGGAAGAGACAAAGAACT  
TGCATATGAATAATAATGCTACAATACTATTAACACCTCCATTAATGGGTGAAGAAGAACAAGGTGATGATCA  
AGACTCATTTTGCCTCAAAACATTCCAAGGCTGAATTCAAGTGAAGTAATGGCAATGAAATTAGAAGAGATA  
AGTTGTGGGGAAGATGAAGAAGAAGTCGATTCAAAGGTGGCCGACGTAGGGTCATCTTCCTTGTCGTTGTGCG  
ACAACAAGCATACAAATTCCAAAAGGGTTTGGCATGCTGACTGATCTTTCAGTCCAAAGATGAACATGGATTG  
GGAATCAGACAGTTTT

>trans\_c\_3037 Z14078|T.aestivum mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

TCATCGGCATGAAATGGCTCTGTGCTTCTGAAGGACACAACGATGGTATCGTGATCAACTTTTTTGTACGCAT  
CATGAATGCTTGCCTTGAGCATTTTCTTGATAGTCATTCCAAAAATTGAAAAATCCCAAGAACTCCATCTTCCA  
GACATCCTTCACAATTTGTGCAACGTGAGCTTCATTCTCGTAGGAAAGTTTGGAGGCCATCATACAAAGAGCA  
CCGAAGTAATTGACATCACCAGGTTTTATACTGCTGTCCAATGTTACTCTGCTGTCCAAGTGACCAATCATCGA  
CAAGTATTCGCCGATGAGCTGTCCGGTATTTTCAACCTCAGTCGGAAGAAGTTGAGGAGAATGCCGGAAAA  
GCCGCCGTTGAGGGATAGAAAATTGAGAGAGGACTCGACGAAAGAGCTTTACAAGCGGCATTGCCCTTCTTC  
ACTCACGCGATATTGCTGGATCGGGCTTTCGCCATTGTCCAAGATTCCTCACTGCTGCCCCCGTGGGAGTCC  
GGGCCGTGTCTCAGTCCAGTGTGGCTGATCATCGAAAAGACCAGCTAAGCATCATTGGCTTGGTCAGCCTT  
TACCTGACCAACGACCTAATACTACGCAGGCTCATCAACAGCGCTTTTTCAGTTTCTTCAGGATTTGGCCCGT  
TGACAAGCGCAGATTCCACGCGTTACGCACCCGTTGCCACTTTGTTCTCAACTCTTCCACCTTGAAAGGCG  
AGACAAAGCGTTGAGCCTCTTTTCTTCTGCTAGTCCCCGAAAACAACGTTGACTTGATGTGTTAAGCAT  
ATAGCTAGCGTTCCTTCTGAGCCAGGATCAAACCTCAGATTTTTTGTATGATCTGCAAAGGATTCTACCAATCGC  
TCGGTGG

>trans\_c\_3038 EU373014|Gossypium hirsutum gland development related protein 22-like mRNA,  
complete sequence

TTTTCTTATCCGCCGCCATCGCCAACAATGTCTAATAAAATCAGACTAAGCCCTAATTTCTCGTTCCACCATCT  
TCTTCTTACGCCGGCTCCTAGCAGCTCAGTGCTGCCGCCGTGTTCTACTGAGTGGGTTTCACTGATTTCTTGTT  
GTTACTGCCTGGAACAAGATGGTGCTATCAGAAGAGGAAATCACCAGGCTTTTCAGAATTCGAAAAACCGTGT

TTCAAATGCTAAGAGACCGAGGCTATTTTGTGGAGACTTTGAGATTGACATGACAAGGGAGCAATTTAAGCA  
AAAATATGGTGAAAACATGAAAAGAGAAGACATTGTTATTAATAAATCCAAGAGAAATGATAGCAGTGATCA  
GATATATGTTTTTTTCCAGAAGAGGCCAAAGGTTGGCATCAAGCCGTTGAAAACATATACCACCCGAATGAAA  
TCAGAGAATGTTTTAGAGCAATATTGGTCGTTGAGCAGAATTTGACCCCTTTGCCCGTGCCTGTATGAGTGA  
AGCAACTTCCAAATCATTCCACTTGGAGTTTTCCAGGAAGCAGAATTGCTAGTTAATATCAAAGATCACGTCC  
TTGTTCTGAGCACCAGTTACTTACCAATGAAGAGAAAAAGACACTACTTGAGAGATATACCGTGAAAGAAAC  
ACAGCTACCACGCATACAAGTGACCGACCCAGTTGCACGATATTATGGGCTAAAGCGTGGCCAAGTTGTGAA  
GATCATCAGACCAAGTGAACTGCAGGAAGATATGTAACCTACAGATATGTTGTCTGAGTATGTTTATGATTTT  
GTAATTGAACATTTGACATATGTATACACCTTGAGTTATGTTTTGAAGTCTTAATTAGTGTATACTGGTTGTG  
ATATC

>trans\_c\_3039 AB441167|Fagus crenata CP12 mRNA for chloroplast protein 12, complete cds

CGAGTTTGTTCATCTTCTACTCCTTTGTTTTTCTTTGTTCAATTTTTGGACCTTTGATGAAATATCTTCAT  
AACTCCTATGACGTGGGCACCATCCATTGGTTGTCATTGATAAGAAATATGTGTCAATGGCACAATCCCATT  
CCATTTATATATTATATAGTTCCTAAAGCCATATCCCATGATTTATATCCTTCTTCAAGCTCACAATTGAACTTT  
AACATTACTTCTCCCTACACAAAGATATGGCTACCATTTCCGGAGTGAACATCTCAAGTCCAAGAATCTTGGC  
CAAGGCAGCCCAGACACCTAAAGTACAGCCTCTCAATGTTGGGTGGCTCCGCTGCTCGTGGAAGCAATCGACC  
CGAGTTGGAGCCATAAGGTTGAGAGTCCCACCGGTTGATGCTGCACCGGATAAGATATCGGATAAGGTAGAA  
GAGAGCATAAAAAATGCGGAGGAGGCTTGTGCAGGTGACCCCGTGAAGTGGCGAGTGTGCTGCAGCGTGGGA  
CGAAGTTGAGGAATTAAGCGCAGCAGCAAGCCATGCTCGTGACAGAAAGAAGGAATCGGATCCATTGGAAA  
ACTATTGCAAGGACAACCCAGAGACTGAGGAATGTCGCACCTACGACAAGTGAATGAAATGATATTAAG  
TTTTAGACATTTTATTCATCTACATATTGATTTGAATTAAAGTTATTGGATGACATATCGTTGTGTAACTTTTTA  
AAGTTGTTGATTTTACAAAAGTTGCATGAAATGGCCATAAAGTTGCTTAGTTAAAGCTTTAGATATTATCTA  
ATGTATTAATCAAGTAAAAATATTGCACTCTTTATAGATTAATCTTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_3040 AL161571|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 67

ACACCAAAAAACAAAAAGAAAAAGAAAAAATTCATTCCCTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTATTCTTC  
AATATTTTCATCTTCATCTTCATCCAACAGAAAATCCAAACCCTAGAAGGAGAAGATTTGTTTCATCTAACTGATTT  
TTTTCGTCTCTTTTACCAATTCAATTTGGTGAGAAGGATGAGGAATTAACAGGAAATCATTTTTATTCCGTT  
CGAAGAAATTGAAAAATAATGTGTATGAAGAAGCGTACCTGATTTTGGTGAATCCGTCAAAACCTACTGTAG  
AATTGATTCTTCTGTGATCTCATTCTGTTTGATCGGATTCCACTTTGAGAATCTGAATTCCATTCTTCGAGAGTA  
GTGATTTGTTTCTTCTGAAATCCGTTAATGGTTTCCAATCCAGATCTCGTCTTCTATTCTGCATTGCAAGAGGA  
ACTATAATCCTGGCTGAATTCACGAGAGAACCAATCTCGATGACTTACCTCTCAGATGTATCGAGAAAGCTCC  
TCCTCATCACTCCATCTTCTCTCACACCATTAGAAACAGAGCGTACACCTTTTTGATCGAAGGTTCTTTTGTAT  
TTCGGAATTTTTCATGAAGACCTTAACAAATCGGAGGTTTCTGGTTTCTTAAACCGCTTAAAGCGTGATTTTCA  
GGTGTTTCTCGAGAGCGAATCGCTCAAGGGTTTTGAAAACCTCACTTCTTACTGTTTTCAATCGCAGTTTCGATT  
CGAGTTTCCGGCATCTCCTGGGGGTGAATCTGAACAAAACATCGTCCAACGGATTGATGGGAAGTCAGAGAT  
CGAGCTTGGGACTCAGTACAAGAAAGCAAATACCATTGGGTTTCCAAGTTTCAAATCCGGGTAGCTTAAT

>trans\_c\_3041 FJ514800|Lycium barbarum choline monooxygenase mRNA, complete cds

AGGACTGTTGCTGTTGCAATGGCGACTTTGACGAAGCATATCCAAATTCATTCTTCCAACCTCCTTCCATTTCT  
TTCAATTTCCATTTCTGTAATCATCGTTCTCCCTCACGAATCTCCGCGTCTTTATCCTTTCAAGCCCTGATTCTC  
GATTCATTGAAGCTCGGAACTCGTTGATGATTTGACCTGAAATTCCATTGGAGAAGGCCCTCACTCCACCC

TCCTCCTGGTATATAGACCCCTTCATTTTTCGCTCTCGAGCTCGATCGTGTCTTCTACAGAGGATGGCAGGCTGT  
AGGATATGTTGAACAGTTAAAAGATGCCCATGACTTTTTACAGGCAGGTTGGGAAATGTAGAGTATGTGGT  
ATGCAAAGATAATAACAGGAAGGTTTCGTGCATTTACAAATGTTTGTGCGCCATCATGCCTCACTTCTTGCGACTG  
GATGTGGGAAGAAGTCGTGCTTTGTATGCCCTATCATGGATGGACATACGGGTTGGATGGAATACTGCTTAA  
GGCGACTAGATAAATGGGATACAGAACTTCAATGAAAATGATTTTGGGCTTGTAACATTACCAGTAGCTATG  
TGGGGGCCTTTCGTTCTTCTCAATTTGGATGGAAAATTATCATCTAAGCCGGATGTTGATGAAGATAAAGTGG  
CACGTGAATGGCTTGGAACATGTGCAGATGTGCTGAGATTAAACGGAGTTGATGCTCCCTAAGTTATGTCTG  
TCGACGTGAATACACTATTGATTGTAAGTGAAGGTTTTTTGTGACAACTATTTAGATGGAGGATATCACGTTCC  
CCTATGCACATAAAGGGCTTGCATCTAATCTCAACCTTGAGTCTTATTCTACAGAATTATTTGAACTGTTAGCA  
TTC

>trans\_c\_3042 AJ538968|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT31-M2-002

CCCCTGAATATATGCAAAGTGGTAGGGTAACGAAAAGACTGATGTATATAGTTTGGAGTTCTGGTACTTGAA  
GTTCTGAGTGGAAAACGACCTACGGATGCATCATTTATTGAGAAAGGCCTGAACATTGTTGGCTGGCTAACT  
TTCTTGTACGGAGAATAGGCAACGAGAAATAGTTGATCCACAATGTGAAGGAGTACAATCGGAAACACTTG  
ACTCATTGCTAAGGCTTGCTATTCAAGTGTGTTTCTTCAAGTCCAGATGATCGACCAACCATGCACCGAGTAGTC  
CAGTTCTTTGAATCCGAGGTTATGACGCCATGCCAAGTGACTTCGATGATTCCATTTCCGATTAACAGTATAG  
GAAGAAGCATAAAGCATGATGGAGTCTGATGTCAGGCGTGGAGAATCGTCTCTTAATTTACCCATTTTCTGC  
CTGCAATTCATTAATAAATTTGGAAGCTGCCGTCTATCATTGCGATCCATTTGTTCTTCTTATGAGTAGTTATC  
TCCAAGGTTCTTTTACTATTTAATGATATGCTTTTATTGTGCATGATTCTTACTTAAGAGAAAGTTCCACTTGTA  
ATTTCCACTTTTGCCTCAATTGTAATTTCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
ACATGAGCAACTGTACAAATCAAATTGCTCCTTAAGTTATTGGTTACTTTCTTTTATTTTTATTGTTATTGTTTT  
CTTTTTGTAAAGTGTGATTTTTGTTTAATGATTACGACATTGAATATATTTCTTTTGATCCTTTATTTATTTATT  
TTTAGGATAACTATGTAATCATCTTTTCAATTTTTTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3043 NM\_001072924|Oryza sativa Japonica Group Os12g0209100 (Os12g0209100)  
mRNA, complete cds

AAGAAGAGATTAGCTGAAGGAATCTCTCTCCAGTTTCATCTTGATCGTATCATCTGATTACTGGTATCTAATCA  
CAATCCAAGAAGGAGGGAGCTATGTCCTTCATGAAAGGAGACTTGCTAACTAAGACTAGAAAGCTCGTCAAG  
GGCTTGGCCAAAGCAGAACCTGTTTGGCTCAAAGCCATGGAGCAGGCGCCACCTCTACATTTCCCCGAGTAG  
ATGGAAAAGTTCAGAAAATCACTCTTCCCGAGGATGTATATGTAAAAAAGTTCTTCCAGAAACATCCAGACTC  
AGCATACCACGATGCCATCAAGTTCTTGGACTTTAATCCTGTTCCAGCCGAATATTTGCCTGGCGGGTGCTTG  
AACTGAAGGAACAAGGTGTCAAGTGAAGGAGGAAGCCATGGCAGCAGCCAATATGGAATACCGGGCAGAGAA  
AAAGATGAAAAAGAAGGCGTACTCTCGCTTGAAGCAAATTGCACGTCTTCAAGGGAAGAAACCTCCTCCTAAC  
CCTTTTCCAAGTGCTATAAAGCAGATACAAGCCGAGGAAAGGAAATACGTCCGGGATCGTTTCTTCAATCCCA  
AGATTAAAGAGATTGCACAAAGGTTGAAGGAGGAGAAAGCAGCTGAAATGCAGGAAAGAAAGCGAGGCGG  
CTGGTGATGGAATATTCCATTCTCCATCCCTGCTTCTGGAACTAGCTTTTGCAATAATTTGACAGTTCAGTA  
ATTGAGAATATTGTTAGATTCAAGCGAACACCATATCTGAAGCATTGGTTCAAGTATGTTAAAAGATTTTCCTT  
TTGAAGGTATTCAATTATTTCGATGGGTGACCTCTCTGAAGGTGGCAAGCCAATGCGCACCTTGATAAAATGT  
CGATNCACTTTTAAT

>trans\_c\_3044 NM\_001067706|Oryza sativa Japonica Group Os08g0191600 (Os08g0191600)  
mRNA, complete cds

GAAGTCTTCTCTCCTTTATTTTACATTCATATCTCACACCTTCATTTCTCTTCTCTTCGTTTAAATTACCTTTCCCA  
ATCGGTTTTCTAGGCACTGATTGCATCGTTTCTGCCTCGAAAACATTTGAGATTCCCCATGGCGAAAAGCTCCT  
TCAAGCTCGAACATCCCCTAGAAAGGAGACAAGCTGAAGCTGCTCGCATCAGGGAGAAATACCCAGATAGAA  
TTCCCGTGATTGTGGAGAAAGCTGAAAGGAGTGATATTCCTGACATAGATAAGAAGAAGTACCTTGTCCCTGC  
TGATCTGACTGTTGGGCAGTTTGTTTATGTTGTCCGAAAAGGATTAAGCTTAGTTCCGAGAAGGCTATTTTCA  
TCTTTATAAAAAACACACTACCTCCAAGTCTGCTTTGATGTCATCAATCTATGAAGAAAACAAGGATGAAGAT  
GGTTTTCTTTACATGACTTACAGTGGAGAGAACACGTTTGGGTTCTGATTGCTTCAAATCAAAGGTCCTTTGTA  
AATAGAAGTAAATAAGCTGTAAATCCACTCCCACTCAATTCTCTTAGCAACTGTCTATTTCTGGTTTACCTTA  
GGCCTTCTTTCTTTCTCTGTTAGTGTTATGTGTTATTGTCATTAAGGATTCATTAAGTTCGTTTCTGAATTC  
GATGGTGTTCTCTCTGCCAAACAGAAAAGAAAAGTGGGTGTTTGTGTTAGTGAGAACCCATGATTTTCGACTT  
CCTATTTCCAATTTATGTTCTATGCCATGGTAACATCAGATATTTCTTGCAATTTCTATTTACGATTTCATCGTCTT  
GTAATTCCATGCAAATTGGAACAGTGAAAAAATTATCAAATTCTAATAGCTCACTAGTCGGCATCTTTG

>trans\_c\_3045 NM\_105787|Arabidopsis thaliana 6-phosphogluconate dehydrogenase NAD-binding  
domain-containing protein (AT1G71180) mRNA, complete cds

ATTTTTATAAGAGTCAGATTTTCAAAGTACTCTCCTTTTGTTAGAAAAGGGCTAAAGTGGCCAATGAAGGAGA  
AAAAACAAACCAACAACCTTTTGAATCCTTGTCTATTCTACTGCTAACTTGCTTGACCTTGATTATTCCTTAATC  
CACCATGGAAACTCCTTATCCAAACCCCATTTCTCCACCAAAAACCTCGAATTGGATGGATTGGCATCGGAGTTA  
TGGGCGCCGCCATGGCCACTCGTCTCCTCTCCGCAGGTTACTCTGTCACTATCTACGCTCGTTCTCCTTCTAAAG  
CTCTTGATTTACAATCCAAAGGGGCTCTTCTTGTTAACTCTGTTTTAGAATTAGCTCAGACCAGCGATATTGTTT  
TCACAATGGTGGGTACCCATCAGACGTTGACAAAATGTCTTAGACGACAATGGGATCCTACAAGGCTTGAA  
TCCTGGTGGGGTCATCGTTGACACCACTAGTAGCCACCCCGCTCTTGCCCGCAACATATTTACCGCTGCTCGTG  
CAAAAGGCTGTTGGGCTGTGGACGCACCGGTATCGGGGGGTGACATTGGGGCTAGAGATGGAAAGTTAGCC  
ATTTTTGGTGGTGGAGATGAAGGGGTAGTGAATTGGTTATTACCTTTGTTGAAGTGTGGGGAAAGTAACAT  
ATGTAGGTGAAGCTGGGTGTGGGCAGAGTTGCAAGATAGCAAACCAAGATACCGATTTTCGGCAAATTTGATGG  
GGCTGAGTGAAGGGTTGATGTTTGCGGAGCGAGCGGGTTTGGACACAAAGAAGTTTTTGAAGCTGTGAGG  
GGAGGGGCAGCAGGGTCAATGGCAATGGAGCTGTTTGGTGAGAGGATGATAGGAAGGGACTTTAGGCCTG  
GTGGGTATGCTG

>trans\_c\_3046 NM\_001053125|Oryza sativa Japonica Group Os02g0290400 (Os02g0290400)  
mRNA, complete cds

TGAAGGAAGTTCCTGCTCGGACGAACCATGGTTCGACCATTTGCGGCGAAGGGGAAGAAGAGAAAGAAGGC  
GGAGAAATACGACAGAGACGAAGATGGCGAGGAATCCTCCTCTCCTGCCAAGAAAGTTATGGTGGAGAATG  
AACCTGATGAAGAACCACCCAAGGAGGACTTCCATGAACCTGAAGGTATTCCTATTGTTCCGAAAGACCCCAA  
GACTGATAACAATGCTGGTGTCTCTTCATCCTCGAAAGAGCTTCTCTGGAAGTTGCCAAAGTTGGGAAGAAT  
TACCAGCTGTTGAATTCTGATGACCACTCCAATTATTTGCGGAGGAATAATAGAAATCCGGGGGATTATAGAC  
CTGATATCTTGATCAAGCTCTTTTGCGGATTTTCGATAGCCGAATTGCAAAGGCTGGGAGATTGAAAGTTGTT  
TATGTGAAAACCTGAGAAAGGTTTATTAATTGAAATTAACCGTACGTTTCGTCTTCCAAGGACGCAGAAACGAT  
TTTATGGAGTTATGTTGCAATTGCTACAAAAGTTAAGCATCACAGCTGCGGGTAAGCGTGAGAACTCTTTCG  
GGTGATAAAGAACCCTGTAAGTCACTTACCTGCCAATTGTCGTAAGTGGGTTTCTCTCATAGTTTCGGATA  
AGTTGGTCAAGATGCGAAATTATCTGGATGCTGTCAAAGATGACGTAGATCTTGTTTTGTGGTGGGTGCAAT  
GGCTCATGGGAAAATCGAGACTGATTACACCGATGATCTATTAGCAATTTCTGAATATCCTCTTAGTGCTAGTT  
GCTGTATTGCGGATATTTGCAAAGATTTGGCAGAGAAATGGAATGTAGGGTGAAGTCTGCTTACACTCCCTT  
TTCCATTAAGCATC

>trans\_c\_3047 XM\_002862983|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT5g56980/MHM17\_10, mRNA

>trans\_c\_3048 BT003054|Arabidopsis thaliana At1g05210 gene, complete cds

>trans c 3049 BT011863|Arabidopsis thaliana At1g13360 mRNA sequence

>trans\_c\_3050 NM\_001057675|Oryza sativa Japonica Group Os03g0727100 (Os03g0727100)  
mRNA, complete cds

AGCCGAAACCCATTTTCGGACTTAGTCGGGGGGCCTTCGATCCGCTGGGTTTCTCCATCCCCTTGATTACATCG  
GAGGTTTCACTGATCGGAACTTGAGAATTTACAAACATGGGGGCTTCAGAATCCGCACTCTCACGCTCTCTCT  
CAACGAGGTCAGCTGATGTAATCTCCACCGAGTCGGAGCGATCAGAAGCTGTTGATCCCATCTTAGAGAGGCT  
CAAATCCCTTCAAATCACAACACCGATATTGCAGTCACCCCCTACGGAAGGTAGCCTGACAGATATCTTAGTTA  
GAAAACCGCCCTCTTCTCAAATGCTGTTACTGTGAATCCCCAAGTGCTTTTGGAGCTCTTCTCGATATACCGTA  
AGTGGCAGGACGAAAAGGTCCAAGAGATCAACAAAAATCACGAAGATATTGAGAACAAGATCGAAGTCACA  
GATGCTTTGGCTGTTAAACTTCTTCAACGCTTAAATTTTTCTGTTTCTGCAGTTAAATCAGCTTCCCAACATCTAT  
CAGAAGAAGAATTGCCTCAGAGGGTCCGGAGTCTCTTCGGTCATCTATCAAGCCATTTGTTCTCGCAACGGCC  
GACACAGGGTCTGCTTGAACCTCATCTTCTAAACAAGTAGCTTTGGATACAGATCCACATCCCCAAGAACCCAA  
ATTAAATTGATTCATTATTGGAAATCGTTTTGTAATTTAGAAACAAAAGCACTCACGTTGCACAAAATGGTATA  
TATAAAAATGCCAATTCTTGATAAATTGGTTTCTTTTTCCAGCATTATCCATTGTCAAATTTGCTGTTTACAGCA  
ACGTTAAGCTGTCGAGAAAATGTCCTAAAGCAGTGTCCTCAAAATCAAATCTGGACCGCTGACCGTTAGTACC  
T

>trans\_c\_3051 XM\_002879798|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata yippee family protein, mRNA

TTTTCTTCATTTCCCTCTTTTTTCTTTTCATTTCTTCTTGTTTCCCACTTGATTCTTCTCTTCTTCTTCTATTCT  
TCTTTCTAATTTCTTTAGCAACTCAATTTCTGGTTACCCATTTCCCTCTTTTCAATTTTTGACGAGATTTCAAAGTC  
ATGGGGAGGTTGTTCTGTGAACCTTGAAGGAAGGATCTATAGCTGCAAACTGCCGAACCCATCTTGCTC  
TTTATGAGGACATAGTTTCCAAAACCTTCCAAAGCAGACATGGAAAAGCTTACCTCTTCAATAAAGAACTGAAT  
GTTTCTGTTGGAGAGAAAAAACGAGAATGATGATGACGGGAATGCATACTGTTGCTGATATCTTTTGTGTTG  
GCTGTGGATCAATTGTGGGATGGACATATGAACTGCCTTTGAGAAAAATCAGAAATACAAAGAAGGAAAAAT  
CGGTACTGGAGCGGTTCAAGGTTTCAGGGCCTGGTGGAAACCAGTTATTGGGTTAGTCATACTCATAGCCATGA  
AACAGGCCATGGTGGAGGAAGTGATGCAGATGAAGCTTGATGATGATGACGACAATGATGATGATGATATTA  
TTATTCCAACGTATATACTACACATCCATCCAATGTTTATTTCTTCTCAGCTCATTGTTCTTCAACTGTCATTCTC  
ATTTAGCAAGAAAACAATACTTGGCTAGCTGTTTTGTAACAACACTCAAACATTTCACTGATAATTCTTCTT  
TAACTTGATATTCAATATCACTTTGCAATACCATGATATGTTTCTTTTTTTTTCTTTTTTTCTTTTTATCAAATTT  
GTGTTCTTTTGATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3052 Novel Gene

AGAGGGTGAGCATTAGGCAAACCTCTCTCTCTATCTCTATATCAAACCCTGCTTCTCTCTGCCGCTCCTCCT  
CCTCTTCTCCTCCTCCGACGTTGACCTCCTTCTCCTCCATTTCTACAACCCCTTCATCTAGATCTACCCTCCCCA  
CCTTTCAATTTACATTTTCAAGGTCAGATCTACTTACCCACTTCTATTTCTTTTTACATCACTTCGTTTCTAGGG  
TTCTACTTAACCCCCCTTCTCTTTCAGATCTTGAACCACTTCTTTACTTCCCTTACTCTGGCGTTGGTTTTCCCA  
CGCCACGCTTGCTTCTTTGAGATCCCCATCTCTGTTGCTATCTTTCTTTACGTCTTCTCGATTTCTCACTCT  
TATCGAGTTGACCTTGGAGGAATGTCGATTTTACCCAAAGGTGATTTCGATTCAAATCCGGGAAGTCTGGAATG  
CTAATTTGGAAGAGGAGTTGCGTTAATCCGTGCGATTGTTGATAAATTAATTACATAGCTATGGATACCGA  
GTTCCCTGGTGTGTTGACTTCGTCTTTGGGTACTTTCAAGAATATCAATGATTTCAACTACCGGACTCTTAAGGA  
TAATGTTGAGATGTTGAAGTTGATTCAGTTGGGCCTTACTTTCTCTGATGAGGATGGGAATCTCCCAACTTG  
GAACTGATAAGTTTGCATTTGGCAGTTCAATTTCCCTGAGTTCAATATTGGTAGTGATATTTTGTAGTGATT  
CCATTGAGCTTCTTCGTCAGTGTTGATTGATTTTTCAGAGAACAATGAAGAGGGTATCGATGTTAATCGTTTT  
GGTGAGCTTCTATGTCTTCTGGGGGTTGTGTAAACGATGATGTGAACTGGGTACGTTTC



>trans\_c\_3053 AF243374|Glycine max glutathione S-transferase GST 19 mRNA, complete cds

ATATCAAATATCACAAACAATGGCAGAGGTAAAGATTATTGGATCAGCTGCAAGCCTATTCTCCGTAAGGGTC  
GAATGGGCCTTGAAGCTCAAAGGAATTGAGTATGAGTACATAGTTGAAGACTTGAGAAACAAAAGTGAGCTA  
CTTCTCAAGTCCAACCCTGTATACAAGAAAATACCTGTGCTTTTGACAAATGACAAAGCCATCTCCGAGTCGCT  
TCTCATTATTGAATACATCGACGAGACGTGGAAGGAGAACCCGATATTGCCTGAAGATCCATATGACAGAGCC  
AATGCTCGCTTCTGGGCTAAGTTTTTAGACGAGAAGGGTTTGTCTCGGTGCCTGGGAAGCTTGCCAGGCTGAA  
GGAGAAGAGAAAAGAGAAGGCTGTAGAGGCTGCGGTACAACATTTGGCACTGCTTGACAAAGAAATACAAGG  
AAAGAAATTCTTTGGTGGAGAGAAAATTGGTTACCTAGATTAGCTGCAGGTTGGATTTGCCACTGGCTCAGT  
GTTCTGGATGAAGTGGGAGAAATGAATGTGTTTGACAGAGAAAGGTTCCCATCCCTTCATGAATGGGCTCAA  
AACTTCATCCACGTTCCAGTTATCAAAGAATCGCTTCCACCCAGAGAAATTCTTGCAACTACTTCAAGGGGAG  
TCTGAGCTACGTCCGGTCCTTAGCTGCAAATAAGAAATAAGGTCTCGTCGAATGTTTATATTTTCGTTAAAAATA  
AGTTTATTCTATCAAACAGTAAGAATACAGATGGCCAATGTGAAACAAATCCATAGGTTAAAAAATCATAGGT  
GGTGTGTTGTGTTGAATACTCTTTACTACCTTCGAGTAATATGCATCTATTTTATTGACTAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3054 Novel Gene

AGCCTTTTGTAAATTTAACTAAAAAATATTAAAAAACCCTAGAATCTTCCCCTCTCTTAGCAGCAGCCGCGTCC  
CTCTTCGTTTCTAACCTCTCCATTCTGTTGTGTGCTCAGTTCTCACTGATTCACCATCCGGGAGCCATCCTCCC  
TTACCCGATTCACCGTCAGTCCGACACCGTCAATCCATCACAGCTACGCCACGATTCCAGCTTCAAAGTAGCCG  
CACCTTCCCTACATTTCCCTTGAAATCCTCACAGTCTATCACGGGCTCACGGTCACTCAACGATTCGGAAATCT  
CGTTTCCCAGTTCCAGCTCCTTAAAGATTTTGCAGATTTTGCAGATCTTGACATGAATGCCTTCAAGGCTTTCA  
AAGCCAGTGTCCCAATTGCATGGAGTCCTAATCTTTATATCACATTAGTGAGAGGCATGCCGGGAACAAGGAG  
ACTTCACAGACGTACATTAGAGGCATTGCGGCTCCGAAAATGTAACCGAACTGTCATGCGCTGGAACACGCCT  
ACTGTTAGAGGAATGATTCAACAGGTAAAGCGATTGGTAGTGTTGAAACAGAAGAAATGTATAAAGCTCGT  
AAACAGAAGATGGAAGAGCACAGGGCCCTACGACCGCCTTAGTTATAAATCACCTTCCGGCACCAAGTTCTG  
CTTCTGCCTCTTGAAACATGTATTGCTGTTAGAGGTCAGGTCTACTTCTTGGGTATTGGGACAATGTTGAAAAG  
AATTATATTTGAGTAGTGATTTTTTCAAGGAATTACTTGACAATCAATGGCTTTTATGCTCTATTCATCTTGCCAA  
AATTAGTTGCTAGCTAAAATAATATATTGGAATACTTGCCATTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3055 XM\_002866082|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

ACCATTACTTCACTCAAAAATCCATTTTGGTGTTCGCATGGAAAATCCCTCTAATCACAGGATTGAAATCGTTC  
CATTGCAGCAGGACATGGAGGAATCAGCCCAAGCTTTCAAGAATCTTCACAGCAGAGAGTATCAAGGTCACA  
AGAAGAAGGTACATTCCGTGGCATGGAATTGCACGGGCATGAAGCTTGCTTCCGGTTCTGTTGATCAAATCGC  
TCGAGTTTGGCATATTGAGCCTCACGGACATATGATGTTTGCTTCAGGGTAAGGTTAAGGATGTTGAGTTGAA  
AGGGCACACTGATAGTGTAGATCAGCTATGCTGGGACCCTAAACATTCTGATCTTATAGCGACTGCATCTGGG  
GACAAGACCGTTTCGACTATGGGATGCTCGCAATGGGAAATGCTCACAGCAAGCTGAGCTCAGTGGGGAAAAT  
ATCAACATCACCTACAAACCTGATGGGACACACATCGCTGTTGGAAAATAGGGATGATGAACCTACAATTCTGG  
ATGTTAGGAAGTTTAAACCAGTTCACAAGCGCAAGTTCAACTATGAGGTGAATGAAATAGCTTGGAACATGAC  
TGGGGAGATGTTTTTCTGACAACTGGAAATGGTACTGTTGAAGTACTAGCATACCCATCTCTTCGACCAATTG  
AAACTCTTATGGCTCATACAGCGGGTGTACTGCATTGCAATTGACCCTGTTGGAGGGTATTTTGAGTTGGA  
AGTGCTGATTCATTAGTTAGCTTATGGGATATATCGCAGATGCTTTGTGTGCGAACATTTACAAAACCTGAATG  
GGCTGTTAGAACAATAAGTTTCAACCACACAGGAGAATACATTGCTTCTGCCAGTGAGGACTTGTTCAATTGAT  
ATATCAAAT

>trans\_c\_3056 DQ122189|Gossypium hirsutum 3-ketoacyl-CoA synthase mRNA, complete cds

ACTTTCTAAAGATCTCATGGCTATAGCCGGAGAAGCTTTGAAATCCAACATTACAACCATCGGACCACTCGTTC  
TTCCAGCGTCGGAGCAGCTGCTTTTCCTTTAACTCTAATCGGCCGAAAATCTTCAACCCCGGATGGAAGCCG  
TACATCCCAGATTTCAAACAAGCGTTTGAGCATTCTGTATCCACGCCGGTGGACGGGCGGTGATCGATGAAC  
TTCAGAAGAACCTACAGCTATCGACAGAGCACGTGGAAGCTTCTAGAATGACACTTCACCGGTGGGGAAATA  
CGTCGTCGTCTTCACTTTGGTACGAATTAGCTTACATTGAAGCTAAAGGAAGAATGAGAAAAGGAGATCGGAT  
TTGGCAAATTGCATTGGGAGTGGGTTTAAATGCAACAGTGCTGTTTGGAAATGCAACAAAACAATCAAACT  
CCGGTCGATGGGCCATGGGCTGATTGCATCGACAGGTATCCGGTTCACATTCTGAAGTAGTCAAACTCTAAG  
AAAATTCCACAAATTCAAAAACAAAAATTTGAAATAACACCCAAAAAGAACAAAATATTTAATAAAAAACAA  
AGAAAAATATGGACTTTGGGGTTTTAGCATAATCATCTGCCAAATTTGCTTCCTTTGTGATGTATTTATCTATAT  
GAAAACCTCTCATTTGTCTATGGGTTGTGACACCATATATTTCCACTTGTTCTTTTTCTTTTCTTTCTTTTCT  
TTCTTCTTAATCCTAAATGGATTGTCATAGATGGAATTAATATTGTGTTTGTATTGAATTTAATGTATGATCCCA  
TTTGTAGTTTGGTTTGGGGTTTCACAAAACCAAAAATTCAGAAGTAGAAGGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_3057 AY105390|Zea mays PCO111935 mRNA sequence

GTTGTCAGAAGCAGAGCTCAGGCACCCAATTTCAAATACTCTACCTCACGCAATCTAATTCAAAGAAGCTTCGT  
GGTAACGCCCTTCTGCATCTGCTCCCTGCAGAAGCGCTTTTGTGTTTCTTTTCTTTCTTCTTAACAACCCATC  
TTTTGAATCCCCTTAATTTGTCTCTATCTTGATGGGAATTGATATGGATTTTGGGTTTATTCCCTCCTTGTTTA  
GTCCGATTCTGATTGTATTCTAATTTGGGGGCTTTCTGTTTACCGTCCGTAGTGTTCCTGTTTGGTGATTTA  
GAAGGTTTTCTCATCTGGGTCAGAGCTAATTCGTGGTTTTAGGCTATGAGGAAGAGGGAAAGAGAGAACCC  
TTGTGGGGTTTGTGGCCATTATCACAAATATGAAGAAGGGGAAGTTTGTGGGATTTGTGGTCATCGTGTTCTT  
GCTACATCGGAGAAAACCTTCTTGCAAGTTAGTGCTTTTCTTCCGAGATCTTGCCGGAGTTTCTTTATTTGGG  
AAGCTATGATAACGCTTCACGCTCAGAACTTTTGAAGACTCAAGGAATCTCCCGCGTTCTTAACACTGTGCCTG  
CTTGCCAAATCTCTACAAGAACTCCTTCACATATCACTGTCTCCAATATGATAAGACTTTACCTTTTGATGACG  
CGGTTGAATTTCTAGAGCAATGTGAAAGAGACAAGGCTCGGGTTCTGGTGCACTGCATGTCAGGAAAAAATA  
GGTCTCCAGCTATTGTTATAGCATTCTTGATGAAATGTAAAGGGTGGAGACTTGCTCAGGGTTATCAATGGGT  
GAAAGAACGGAAGCCGTCTGTTGAGTTAACTGAATCTATTTATCAGCAGCTGCAAGCGTATGAACAGAAGGG  
TT

>trans\_c\_3058 NM\_119793|Arabidopsis thaliana ALDH3F1 (Aldehyde Dehydrogenase 3F1); 3-  
chloroallyl aldehyde dehydrogenase/ aldehyde dehydrogenase (NAD) (ALDH3F1) mRNA, complete  
cds

AAGGTTGTGGAGGGTGGAGCTGATGTTTGTGAACAACCTTTACAGTACAAGTGGGATAAGATCTTCTTCACTG  
GGAGTCCAAAGGTAGGTAGGATTGTGATGTCTGCAGCCGCAAAGCATTAACTCCTGTTACTTTAGAGCTTGG  
GGGAAAATGCCCTGCAATCTTAGATTACTCTGTCCATTCCAATATGAAGGTGGCGGCCAAGAGAATCGTC  
GGAGGAAAATGGGGGCCGTGTGCCGGCAGGCGTGCATAGGGATAGATTATGTGCTTGTGGAGGATAAGTT  
TGCTTCAGAATTGATCGACTCGTTAAAGCGAATACTCAAGAAGTTTTATGGTGAAAACTCGAAAACTCGACG  
AGTATAGCTCGAATTGTTAATGAGAAAAATGTTGAAAGAATAAGCAATCTTCTTAAAGACCCAAAAGTTGCTG  
CTTCCATTGTCCATGGTGGTTCTGTTGACAAAGAAAACTCTTCATTGAACCAACAATATTGTTGAATCCTCCAC  
TCGATGCAGATATCATGACCGAAGAAATCTTCGGTCCCCTGTTACCGATAATCACATTGAACAAAATTGAAGA  
GAGCATTGAGTTCATCAATGCAAGACCGAAGCCTCTCGCTCTTACGCCTTCACAGAAGATGAAACTCTCAAG  
AAACGAATTTTGTACAAAACATCTTCGGGAAGTGTACATTCAATGATACCATGGTTCAGTTTGTGTGTGATT  
GTTACCATTCGGCGGTGTTGGTCAGAGCGGTTTCGGGAGTTACCACGGCAAGTATTCATTTGATACATTACG

CATGAAAAAGCAGTGATGCAGAGAAGCTTTTTGATAGAACTCGAGCCACGATATCCCCATGGAATGATTTCAGCTAAAGTTCA

>trans\_c\_3059 Novel Gene

AATTGAATCCATAAATATCGTACAAACAGCATCCCCACAGACTGAAGAACCGAAGGCAGCAGCCTCCTACTCC  
TCCTTCGAAGTGGTCACCCCAAACATCGAGGAAGAGTCACTCAGCAGGAAAGAAGACCAAACAGAGCAGTT  
CAAGCAATAGCAAACGGGACCCAGTTGTTTCCAGCAAACATAGATGAGGATTTTGATTGTAGTAAGTTCAGTC  
TGCAGGATCTACTTGGTCGAGAGAAGGAAGTTTCAGCAAGCAACAATGGATATGGCTTATCTCATTCAAGTTT  
TTCAAGTCTCGCAAACCAGCCTAATGGGAATAAGCCATCTGACCTTAAACCTTCCTTGAACGGGACCAAACCTC  
ATCACTTGGAAGAGAAAGCGGATTCCCAAGTGATTACTGTCACAAAGAAATGGGTTCGCGGGAGGCTTGTTA  
AAGTAGCCGAAGAACGTTAAGCCTCGATGTTCAATGAAGCAACACCCAGCGATTAGCATTTGATTGCCACATC  
TGTGTAATACAACTAGGTGATTCATCATAGTCATGATAGTAGTATTGACATTAGAGCAGCATCCTCTGGTTCCG  
ATTTCTTTATGTAAACAATCTCAACAGTGTTGGCTATGATAATTCATTTGCTCCCCTTCACATCTCAACCTCTATT  
GCCCCATCTACAGAAGTGCAAATGGTGCAATTGAGGGGAGTCAGTTTTGTGGATAAGGTTTATATTATTATG  
ATAATTAATTTAAACCTTATTTGATTTAGCTTTGAAAGGAGGGTATTAGGATTTCAATTGCGATAATTAGTTTC  
ATACTTTTTATTAATATTTTAAAAATAAAGTGTTGCTAATGAATGTTTAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_3060 AY125497|Arabidopsis thaliana AT5g63860/MGI19\_6 mRNA, complete cds

TTCCCTCGAATGCTTGATTTTCTGCGGCACAAGAGAGTCTTCAGTGACCAAGACCAAGTTGACCATTTGATT  
CCTTCCCCAACTCTGCACCTCGCCTTCCATAGTTACCGCCAAGCAGTGGCTATCTCCACAAGCAATTTGCNTTAT  
TTTAAGACCATGCAATGCTTTAATTGGCTTCGGTGTAACAAATCACTAGAATTACCATGACCTAACCTCCCAA  
AGTCACCCCATCCCCAACTATAAACTTCTGTTCGTGTTTCAGAATAAGCTGTTGTACGATCAGCTCCACAAGTA  
ACAGATACTATTTTCATGGCCATCCAATGCACTCAATTGTGTTGGTGAAAATCGATCTTCAGCATCTCCATGGCC  
TAATTGACCATCTTCTCCACGTCCCCAAGAACAAACAATATTTCCAGAAAGAAGAGCAACCGAATGACTAGCA  
CCCGCGGAGATGAAGAGCACGCGACGAACTGGAGAAGTCGCTTCCATCAGAACCTCAGAGATGTTTTCTAAA  
TTCCAGAATCAAAATCTAGTACAGAAGATCCCAGAATCGTTGGGGCATGAAGAAAAATAGAGAAAGAGGAA  
AAGGGTAATCACTTTTGATGAACGGTGAGAACCCCGTCACGAATTTGTCCCTAGAATCAAGAAATTCGCAGG  
AAAAAGGCAAAATAAATCCAAAAGAGCAAAAGGGTAAATTACTTTAAGATAAACAGTGAGAACCTCATCACG  
AATTTGTCTGAAAAATCAAGAAATTCGCAGGAAAGTATTTACAGTGATGGAGACAGGGAAGATAATTTGAAG  
GGGAAGGTGTAAGAAACCTACCACCAGCCAATGCCGACTGAGGAACATTTAACTATACCTCACATTGGCAGT  
GGCAGAGATT

>trans\_c\_3061 EU185334|Fragaria x ananassa chloroplast fructose-1,6-bisphosphatase II mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATTCCCATGAATTTCCCAACCCATCACCCATTATGATCCCATCGGCATCAACTTCGCCAAATCCCCAAACCCAA  
AACAATCCACACAATAATACTATGCAATCCACTACCATTCCTCTCTTCAATCCCCCGTTTCCTCTCCCTCAAATC  
TCCCTCGTTTTGCACCAACAATCCGCCATTTCCCCCTCCATCCAAGCTTCGTCTTCCACAGCTATGGCTTCTAC  
ACCTTCTGGCCTCGCCGTCGGGTCGCGAACAGGGACCGCTCCTAGAGGGTCGACAGGCACTGATGGACTCTG  
TACTTTGACTGATTTTGTGGGTAAGGGAGGGATTGGTTTGGGAGATGATTTAGTGCTGCTGTTGACTCATATT  
CAGTATGCTTGCAAGAGAATTGCCGCTCTCGTCGCTTCTCCCTTCAGTTCCGATCTTCAAAATCCGGCGGGTTT  
GGCTGTTGGGTCTGAGAGGGATGCACCAAGCCGCTCGACATTGTGTCTAATGAAATCATCTTATCATCCCTTA  
GAAATTCTGGAAAAGTTGCTGTGATGGCTTCAGAAGAAGATGATGAACAGTTTGGATTAGAGATGATGGCC  
CATTTGTGGTGGTAACTGATCCTCTTGATGGTTCTCGAAATATCGATGCATCAATACCTACTGGCACAATTTTT

GGGGTTTATAAACGTCTTGTGAACTCGATAATTTACCGAGAGAAGAGAAGGCCGTGCTTAATTCTCTACAGA  
GTGGGACTAACTTTTGGCTGCTGGATATGTTCTCTACTCATCAGCTACAATACTTTGTGCCAGCTTTGGCTCT  
GGGACACATGCATTTACTGACCATTCAACAGGAGACTTCATTCTTACTCATCCTCACATCAAAATCCCTCTC

>trans\_c\_3062 XM\_002309092|Populus trichocarpa auxin influx carrier component (PtrAUX1),  
mRNA

CCGGCGCCACTAACATTCTTTACACATTCGGAGGCCATGCTGTGACTGTTGAAATTATGCACGCTATGTGGAA  
GCCTCAGAAATTCAAGTACATCTATTTGATGGCTACATTGTACGTTTTACCTTAACTCTTCCGTCAGCCACCGC  
CGTGTACTGGGCTTTCGGAGATGAGCTTCTAAACCATTCCAACGCCTTCTCCCTTCTCCCAAATCCGGCTTCC  
GTGACGCCGCCGTCATCCTCATGCTCATTACCAAGTTCATTACGTTTGGGTTTGCTTGTACGCCGTTGTACTTTG  
TGTGGGAGAAAGTGATTGGAATGCATGATACGAAGAGCATTTGTTTAAGGGCTGTTGCGAGGTTACCGGTGG  
TGATTCCAATTTGGTTTTTGGCAATCATTTTCCCGTTCTTTGGGCCTATAAATTCGGCGGTGGGAGCTTTGTTGG  
TGAGTTTCACAGTATATATTATCCCTGCCTTGCTCATATGCTGACTTACAGAAAGGCCTCTGCTCGTCAGAAT  
GCTGCAGAGAAGCCTCCATTCTTCATCCCGAGCTGGGTTGGAATGTACGTATTGAACACGTTCTGTTGGCGT  
GGGTTCTTGTGGTTGGGTTTGGGTTTGGAGGATGGGCTAGTATGACGAACTTTGTTAGGCAAGTAGACACCTT  
CGGACTTTTCGAAAGTGCTATCAGTGCAAGGGTCCCCCGTTACCTGCGATGGCTCCAAGTCTCATATTAA  
CTCTGGGCAGCCACTGGGTTCTGTTTCGGTTTCGGTCTTGGTCTTGATCTCGATCATCTCCTCCACTTTTTGTAT  
CATACCAATGGGGGGAAAACTACTAGCCTTTTGCTCATGGCCCCCTCTCTTGAGTGTGTAGAATTTTCTTCTA  
C

>trans\_c\_3063 XM\_002329837|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS63),  
mRNA

CGCGGCTCAATCACCAGCTCTCACCTGTTGGAAAGCCCCCTTCAAAGGGCTGCTTTCTACTTCAAGGAGGCTCTT  
CAATTGCTCCTCCTTATGAATAACCCAGTTAATCCTCCTCCACCTCGCTGCCCCGACACCGTTTGATGTGATCTTC  
AAGATGGGTGCTTACAAAGTGTCTCGGAAATTTCCCCACTCATTAGTTTGTGAATTTACCTGCAACCAGGC  
ACTGCTTGAGGCGCTCGATGACGTTGATCGAATTCACATTCTAGATTTGATATTGGTTTTGGAGCTCAGTGG  
GCTTCTTTTATGCAGGAAGTGTCTTGAGGAGCCGGGGTGCACCATCGCTCAAAATCACTGCTTTTGCCTCTCC  
CTCAACTCACCATCCAATTGAACTTGGGCTTATGCACGAAAATCTCACTCAATTTGCTAATGACATTGGAATAA  
GTTTTGAGTTTGAAGTAGTTAACTTTGATTCTTTGAACCAGAACTCTTTCTTTGCCATTTACACGGACCAGCG  
AAAACGAGGCCATTGCAGTAACTTCCCTCTATGGTGTTTCATCAAAACAACCAGATATGCATCCGTCTCTCCTC  
CGCTTCATCAACCAACTCACCAAAAAATGTGGTTTCACTGGACCGAGGTTGTGATCGAAGTGACCTCCCCTT  
TCCTCAGCATATGCTTCAGGCACTTCACTTACATTAACCTTCTGGAGTCTCTGGATGCTATCAATATGAATTC  
GGATGCTGTGAACAAGATCGAAAGGTTTCTTTTGCACCCAGAATTGAAAGTACGGTCTCTGGGACGACTTCGA  
GCACCTGAAAGAATGCCCTTTTGGAAACACTCTTGCCTCAGCTGGGTTTACCCCTGTAACTTTAGCAACTT

>trans\_c\_3064 XM\_002893405|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transferase family protein, mRNA

AACTCAATTTAGTTCGTCGATTTAGTTTTCAATTCAAAGACAGAGCTTCAAAAATCCCAACAATGGAAGTTCA  
AATTCTACCAAAGAAATCATTAAACCTTCTCTCAACCCCTTCTCATCTTCACCGTTTCAACATCTCTCTGCTC  
GACCAGCTCTCCACCGCCGTTACGTCCCTGTCACTCTTTTTTCCCCAATTCCAATGGAGCAACGCCTTTCAAC  
GAAAGATCCGACCGTCTGAAGAAGTCACTGGCGGAGATTCTGACTCGATTTTACCCACTCGCCGGCCGTCCCA  
GAGAGAATAGCTACATCGATTGTAACGACGACGGCGCTGAGTATGTTGAAGCTCGAACCAATTGTGTTCTCTC  
CGATTTTCTTAAGGAACCCACGCCGGAACCTCTCGCTCAGTTTCTTCCAATTTAAACCGAAGCCCCCGAGGCCG  
CCGACGGCGGACGCATGCTCTTAGTTCAGGTGACATTATTCGAATGCGGAGGAATGGCAATGGGCATAAGCT  
TCTCTACAAACTAGTCGACGCATCCTCCATAAGCGTAATCTTAAAAAGCTGGTCAGCGGCGGCGCTAGGCTC

CGACATGGTGGAGCCAGAGTTTCTTCAAACATCTTTGGTACCATCGCCGGAGGGAATCCCAATCGCCGCCCA  
CCAACAGACTTAGGCGGCAAAGTCAAATGCAGTAGCCGAAGGTAGTTTTCAACGCCCAAAGTATCGCCGATC  
TAAAATCCAAAGCCGCAAGTGACATCACACCGAACCCACCCGTGTGGAGGTCGTAACGGCTCTCATTTGGAA  
ATGCGCAATGAAAGCACAAAGCATCAACAACCTCGAAAAACGACGTCGCCTTCCCCAATCTCTTCGTCATGTCCA  
AACCG

>trans\_c\_3065 DQ386156|Coffea canephora fibrillin 8 (FIB8) mRNA, complete cds

ACACACTCCAAGTATGGATTGGGCTAATCCAACCCGTACCCCGCAGATTCACCGGAATAATGCGGTGATGGGA  
TTGAGAATTAAGTCCAGATTATCATCGTGATCCAAACAAAGCCGACCTAGGAATCCCGTTAGGAAACAATCTCT  
CTCGGTGACTGCGATTGCTTGTCTTTCTGGGTTTTCTGTTTCGTCATTTTTCTGCCTTCTCCGATCAGATTCTCGA  
TTATAGGAGTCATTGGTCCACTTCTGTTTCTGAATTCTTATGATCATTGCCTTTGGAATTTTTGAAAAAAAA  
ATTGTTGTCCAATCGTCGGGGATGGACTTGCCGTTCTGTCCTCCCATTTGTATCTTTCTACTCAAAGAAAGCCTTC  
AATGGACATAACCCATTTTGCAGAGTCCTTAGAGAAGATTCTTGTAGAAAAATGTTTCAATGTTTAGCAACCGT  
TGCCAGCCAAACAACTCAGACATATACCTATGGGTTGGAAACCAAGAAGACGATCTTCTGGTTGCTGTTCAA  
GAAACTCAAAGGGGGCTTGTAGCATCATCTGATCAACGTTGTGTCATAGAGGAGGCTCTGGTCAATGTAGAG  
GCGTATAGCATGGGTCTCCCTATTGACCTGATGAAATTGGATGGCACATGGCGACTACAGTACACTTCGGCTC  
CTGATGTTCTTATTCTTCTTGAAGCTGCAGCCAGACTTCCTTTCTTTCAGATTGGGCAAATCTTTCAGAAATTTG  
AATGTCGGGACAGTTTGAATAAAGGAATTGTTGCAAATGTCGTTGCTGGAGTATCCCATCACTGTTAGAGGA  
CCAGGAAGGAGCAACTCTGCTTGATCTGCAAAATTTCTGTTGTTTCTTACGTAACATCTACCTCCAATTTGA

>trans\_c\_3066 GQ149069|Cucumis sativus calcium-dependent nuclease gene, complete cds

AGTCCAAATTAATGAAACCTTAAGATTCCCATTATTGCCTAAGGCCGCAAAAAAATGGGGAACGCACTCAGGT  
TCCTCTGTGGCACTTCTGCCATCCCACCTCCGATTCTTGCCTCCTCACGCCGCTCTATCTTCTCCACTGCCGG  
CGTCTCCGCTCTTGCTCACGATCTCTTTGAATTCGAGATCACATCACAGGTTCTCCAGGACTTGGTAAGCATG  
TGGTTTCATCGAAGAAGGCACAGGCGAATTGGTATGGAAAATTGGCTGAGGCTTGGAAGTCGGAGAAACCA  
ACTCCACGAACTCCTGAAGAAGCTTCTAGGCTTGTGATTGAGACCCTCAAAGACACCAAAGAAAGATGTGC  
AGGGACTATTGACATTCTATGGTCTTCTTCTCATACTCTCGTCAAACCTTCTGCTCCAGCCCCAACTGCCG  
CCTCCATACCCGAGGGAGTCAAGTTTGAGCTGCAGACACTGCCAGTTGATGCCAAAGCTGTAGCAGATGGTG  
ATACAGTGACTGTGCATGTGAGTACATCACACCCAGAGAGTCCTTGTGTTCCAAAAGAGGTTAGAAATGC  
AGCCCTTCAAAGATCACGAGCTAGAAACGCAAAGAAGTATGCAAAGGCTGATGCTCTTCAAGACAATAAC  
GGATGCTGGTTACAGGGTAATTACTTTTCAGAATGAGGAGGTTCTTGCAAAAAGTACAGAATTCGTCTCAGA  
GGAATAGACGCACCAGAAAGTGCAATGCCTTATGGGAAAGAAGCAAAGAAGAACTGAAAAGGCTTGTAGA  
AGGCAAGTGTGAGAGTACTTGTGTTATGGTGAAGATCGGTACAATCGATGTGTTGGTGACTTGATTGTAAT  
GGAAAAGTTTAT

>trans\_c\_3067 NM\_001186222|Oryza sativa Japonica Group Os02g0749450 (Os02g0749450)  
mRNA, partial cds

AAGATATCCTCACCTCCCCGCCGCAATTCCTCTTCATCAGACAGCCATTATTGGCTCGCCACTCATTGGCATTTT  
GGATCGCTCACCCCACTGGTTGCTGATTTTGTCTCAGATCCCTCCTCGCGGCAGCAATTCGGGCTGCATCCTGT  
CGCCGCCGTTTCGATCCTCGACTCCATCGTCGATGCAATTGCTCATTACGTATTTGAGATTGAGATTTGGGCATT  
TACTTTTCTCGCTATCAATCAATGAAGCATATAGTTAAGATTTTGACATTATTAGTGGCCATATCAGCTCTGTGG  
ATTGGCCTCTTGAGACATCTATATTACCACATGGCCACACTTGGTTGCTACCCATCTATTTTATTGTCTCCCTG  
GGATGCTATGGTCTGTTGATGGTTGGAGTCGGTCTAATGACATTTCCAACCTTGCCTGCAGAAGGACTGTTGC  
TGCAGAAGGACATTGATGAGGCCAAAGAGTATCTTAAGAAAAAGGGGTTGACATAAATTCTAATTAACAGA

CTTTTCAATCCTTTTGTCTTCTCTCCTCTTGATCAGATTTTTGTTTCTTTGATTACGGTGAAGAACAACCTTGATCCAT  
CGCAAAGAGGCCTTTTTTTATCTGAATCCTTGTGAAAGGCAGTGAATGGATTCATGTATAGAACAGGTTTCAGA  
TAATTCTGTCAGTTGGTAACGTAATCTTTCATTTTTAAATAGGGGTAGCAAACTCAGACTTCTATTTGTTTCTG  
CTTCTTTATACGTTTCTTATACGAATATAGTTGATATTTTTAGTTGATTTTCTAAGTTGATGTTTCATAACCTCAAG  
TTCAATAGTCGTTGGAATCACCTACTGTAAAGTTTGTCTGTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3068 DQ629344|Ceratophyllum demersum large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTCTTTTTTTTTCAAGCAACGACCTTATTTGAAC  
AAGATCTGATCTGTTTTATAGGTTGTACATCGTAAATTTGTCGTACCTTTCCAAAAATGCTGAAGTCCTCGCAC  
AGTAATTCGCGGACATAAGATTATTGACAAAACCTCCAATAAATATGTAAGCTTCATATATTTACAAAAACCT  
CACATGAACAAATTGAGATGCAATTATTCATAACAACCACAAATAGGAAGGAATATGAGAGTGAAATAATTA  
AATGTAGGGTCTGGTCAACTCCACTATTATTGCTCTATATAGAGAACAACCTTCAGAAATTTGGTGAATTAAG  
CAAGATTGATTGTGAATGAGACATATGGATGTGCATCAGAATCTCCTCCAAGACCAGCCATCCCTCCTCCCTCG  
GGACCAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTTTCGGCCTGATCTTAGGCC  
CTGACTCACCTCCGTGGACGAACCTTGCGGAGGAACCTTAGGTTTTCGGGGCATTGGATTCTCACCAATGT  
TTGCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAACCTGCTCGCGCGAGTTGCTTCCCTCTAAGGC  
GGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCACAGCTTCGGCAGATCGCTTAGCCCCGTTTCATCTTCGGCG  
CAAGAGCGCTCGATCAGTGAGCTATTACGCACTCTTCAAGGGTGGCTGCTTCTAGGCAAACCTCCTGGCTGT  
CTCTGCACCCCTACCTCCTTATCACTGAGCGGTCAATTAGGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTTC

>trans\_c\_3069 NM\_114392|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein  
(AT3G45230) mRNA, complete cds

TTGGATCTAACTCCAATATTCAAATTTTCCCTCACCGACTTAACAAAAATTCCCTTTTCAGATTCTCAAAATCTTC  
GCAAATTTCTCTCTACTACGAAAATGGCGAAAACCATTCATCTCTTGTCTTCTTTTCATCTTCCTTTCCCTG  
TTCATCAATGTCTCTTTCTCTTTGAACTATCACACCAACTTCCTCCATCTACGTCTCCTGTAAATTCTCCTCCACT  
ACCATCTCCTACTCCATTCCCTAATGCTCCAGCCAGTTCTCCGGCCGAATCTCCTCTCCATTCTCCTCCTGCGCCT  
CCTCCTTCAGATCTCCCTCCCACTCCATCTCCAGCGCCTGTTCTTTCTCCCGCACCCACTCCTTCTATTCTCTAGC  
GGCCGATAGTGATTCCGGTAATATTACTTCCGGTGGCGGTGGAGAAGACTCCGAAGTCTCTAAAGGCGGGAT  
GAATGGAGGAAAGAAGGCTGGAATTGCAGTTGGAGTGATTGCGGCACTGTGTTTTGTTGGAATTGGAGGATT  
TGTGTACAAGAAGCGTCAGGATAACATTGTCGATCTCAGTACGGGAGTGCTGCTAGGTCTTCGTTTTGTGA  
GTTATTTGGAATTGAATGGCCATGGTACGGAAATCTCTGCTTAATTAGAAACGGATAGCAGTTCTATTGATTAA  
ACAGCATTATCATTTTATTTGACTGCGTAGTTTCGTAAACTCGTTTTATTAGAAACGGATAGCAGTCCTATTGT  
TTAGGAGGAGGTTGTTAGTAGCATTTGATTTATTAGATGATTTTGAGTAGTAGTGATTACTTTTCCATACG  
ATGGTTCTTAGCTTCTTGCTCAATCAGTTCGGCATTGCCGATTTCTTTGTCATTCTGCTTTGGTTC

>trans\_c\_3070 AY142035|Arabidopsis thaliana At1g23840/F5O8\_37 mRNA, complete cds

ACAGTAAGAAGAATTCAAGATTCAAGAGAAATGGAAAGCCATCAGATTCTGTCAAAACCCAACTGGGTTTCT  
CTGCTTCATTCAAAGAAGCCTTGAAAATTCTTTAATCATCCAAAATTTATCTCTTATAATCTTCTCTTTTC  
CCCCTATTGGCCTCCCTCTTAGCCACCAAATTCTCCTCACCCAACCTTCATTCATCTCCTCAAGCTTCTCTCCA  
TCATGATCCTTTCAGCCAATCTCCATCGTCAGAATCATTGACTGTAGAACTCTACCCTATGCGTCTTAGAGCC  
ATTGGACGACAATCCCTCCCCCAATCAAAACCTTCAAAGAAATTCTCTCTCAAAGGTTCTGATCTCAACTCT  
TCTATTAACATCAATCATCTTCTTCTTGACCTTCTCAACACAATTGCAACAGTTTCCATATCAGCAGCAATATAT  
GGAGGAAATTCCCAAATGGGTTTCAAAGAGATGCTGGTTCAAGTCATAAAGATGGTGGCTTTGAAACTCAAA

GGTGCAATTGAAACATCTTTATGTTTTATTTTGTGGCTTCAGTCACTCTGTTGGGTTTGGTTGCTTTGTCAACA  
GACTTCTTTTTTATCACTAAAGACCACCATTTTATGATGTTAGACATCATCTTTGTCTCAAAATTTACCATTGTCA  
CATTGTTCTTTGGGTCACTCTTTGTGGTTTTGTGGGTAAGTATATAGAGTGGAGTGCTGTTTGGAAACATGGG  
GATTGTTATCTCAATCTTGGATAAGAACAAGGGTTATATAGCTATAGGGGTGGCATCATATCTAAGTAGAGGT  
AGCAGAAGACTTGGATCAGTCTGATGATGGTTTTCTTTGTTTGGAAAATGGCTTTTGGGCTTCCAT

>trans\_c\_3071 NM\_115042|Arabidopsis thaliana ATG5; phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 5-  
phosphatase (SAC8) mRNA, complete cds

AGTCGACCTTTCTAAAATGGTTAATCCGTTTTCAATTCACCAGATGGACCAAATTCGATCTCCTGATGTTTCCTT  
CGTAGCTCTTAATTTCTAGATTTGTTTTCTGCTTCTTTGATCCCGAACATGGAAGGCGAATCCTCTTCTTGCGA  
GAGATTCAAGCTCTACGATCAGCTGGAATTGCACGAATTTCAAGGATAGGTTGCTGTAAAGTCTGTGGAATTT  
CCCAACCGAGGCTTCTCAATCAACCGGGGCGATGGAAATATCGAGCCGCTTGATTGTGATACTGGTTTTGGTG  
ATGCAACAAAAGTCTCCACAATCTATGGAGTGGTTGGGACAATAAGATTAGTCGCTGGAGTATACATGCTTGT  
GATAACTTCACGAAAAGAAGTAGGAACTTCCTTGGTTTTCCCTGTTTTCCAAGTAACATCTATGAAATTCCTCC  
CTTGTGATGAGGCTTTGAAGCTTTCAACTTCTCAAGAAAAAAGGATGAAGCTTACTTCCTGTCTTTGTTGAAA  
ACAGTGGTAACAACCTCCCGGGTGTATTATTCATACCAAACAGATATAACGTTGAACTTACAGAGAAGGTGTA  
AGTTTGCTGAAGGATGGACCGCAAAACCGCTTTGGAAGCAGGCTGACCCTAGATTGCTTGGAAACAAAACC  
TTCTAGTGGAACCTATTGAGTTCAAGCTTGATGAGTTTGTCAATCCACTACTGCAAGGAAATATCCTAAACTTCC  
AATTCATATATTAATATGGCGGACGTCATGAAGACTAGTTACAACGTTTCCCTTTCTAATCAAACCTAAGAAA  
CTTCTTTCTTTCTAGAAAACATTTCTTAGAACTTTATCTAGAGTTTCTTGGTAGGTGTTTCTCTAATATTGTCTT  
T

>trans\_c\_3072 Novel Gene

ACGGTCACCACAAACATTTAGAGAGAGAGATTGAACCCGACGGAGAGAGATTGACGGCGTCCGGCGGTAGT  
TCTCGTTCCGGCGTTTCGACAGGTTACGCGGCGTGACGCCGTTGTGATTTCGACAGTGGTAGTTCGGGCGGTTG  
AGTCTCGGGCGGTTGGGTACGTTTTTTCGGGCAGAAACGGCAAATTTTCCGGCAATTAGGCAGAGACGGCGA  
GTTTTGGGTAGCGTTTGGGTCTCAGTTTTTGGGCAGTGACGTTGGGTCCGACGGGTTTGATCAGTTTCGTA  
ATTGGGTGTTAATCCGACGTGTTTGGGTCTTGTCTTGGGTCAATTTTGAAGCGTTTCATTCTCAGATTCATAGA  
TTATTTGTAGAAAGAATATACTCATGTTGAGATGGTTTGATGCTGATAACTTAGCCATGTGTGAATGAAGCCTT  
GGGATTACAAGTTGTTCAAGTTGCTTGTTCAGGTGTGGATTTACATCAATCCTTAAGCAATACATTTTGCTCT  
CCTTTCATTTTCATTTCTTGTATGAAAATCAAGCACTCTCTAGAATCAATCTCAACAATAAAGCATCATTATTG  
AGAGGAGATAAATTTTGATATTACTTCACAGAGAACCGAATCTGAATCCCCAAAATGCCCTCTGTATCTATA  
TATTCTTCAATTCCATTAGATTCCGAACCATAGTTATTAAGGAGGCGTTTGTGGACCGTAATGGAATAGGAA  
TGTAATCTAATAGAATCGAAACCAATGCAATTCCAAACCTATTATGTTCCACAGTTTCCAATCCAGTTTTCAC  
ACTTCACAGTTTCATTTTCTTCTCCTCAATCTTCACCGTTCCGACATCTTCTGAATTCAGTAATCTTGATTA

>trans\_c\_3073 AF239781|Gunnera chilensis photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II  
CP43 protein (psbC) genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

GGGCCTAAAATGCAATCGCATTCTCGGGCCCAATTGCTGTTTTGTTTCTGTATTCTGATTATCCACTAGGTC  
AGTCTGGTTGGTTCTTTGCGCCTAGGGGGTGTGTAGCAGCTATATTCGATTCATCCTATTTTTCCAAGGGTTT  
CATAATTGGACATTGAACCCATTTTCATATGATGGGAGTTGCGGGTGTATTGGGCGCTGCTCTGCTATGCGCTA  
TTCATGGTGCTACCGTAGAAAATACCTTATTTGAGGATGGGGATGGTGCAATACATTCCGTGCTTTTAACCCA  
ACTCAAGCTGAAGAACTTATTCAATGGTCACTGCTAACCGCTTTTGGTCCCAAATCTTTGGGGTTGCTTTTTCC  
AATAAACGTTGGTTACATTTCTTTATGTTATTTGTACCAGTAACTGGTTTATGGATGAGTGCTCTTGAGTAGTT

GGTCTGGCCCTGAACCTACGTGCCTATGACTTCGTTTCTCAGAGGGCTTACATGATAAGGAGCTTCAGGCCCA  
GAGTCCCTCGCGTTGGGGGCGCTCTCTTAAACGAAGGTATTCGTGCTTGGATGGCGGCTCAAGATCAGCCTCA  
TGA AACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCCCGTGGAACGCTCTTTAATGGAACCTTAGCTTTAGCTGGT  
CGTGACCACTCCCAACAATTGGGATAGGTTGTTAATTTCCGTAAATCAGGCGACCGGGCGCCGGTAAACTAC  
TGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGATTAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCA  
TTTCGCGTTAAGAGGATTTGCACGCAGGTGGAAGCCGGCCCCGTCTTTTGTTTCGATCGTCCCGAACCAAAAA  
TC

>trans\_c\_3074 Novel Gene

GGGGAGTTCTCGTTATCCCTCCCAAGTCGAAACCTGAAGCTTTACGAAGATGTTGAGGATTGCAGCTCGAAGG  
CTCTCGTCACTCTCTTCTTCGCATTTACAGGCCTACGATTGCTTCTTCTTTGCCCGGTTCTCACAACATCATTGATT  
CCACTGATTCTAATGATTTAGATCCGGTGGATTCTTCAATACTTTCCATCGGACCTCACTTTGATCGCAACT  
CTAGAGGTTTCGCTTCTGATGCATTAAGTTCAATGAAGGAAACCAACTTAGTTCCAGATGTTCTGCTACTGTA  
GCAGCCGTTAAAAACCCTACTTCAAAGATAGTCTATGACGAATACAATCATGAACGATTTCTCCGGGTGACC  
CCAGCAAGCGTGCATTTGCTTATTTCTGCTTGTGTCAGGTGGTCGGTTTGTCTATGCTTCTTTGATCCGTCTCCTTG  
TTCTCAAGTTTGTTCTTAGCATGTCTGCCAGTAAGGACGTTCTTGCCCTTGCTCGCTTGAGGTGACCTCTCAA  
GCATTGAGCCTGGTTCTACTGTGACGGTTAAGTGGCGTGGA AACAGTATTATCAGAAAGACGAACGGAGG  
AGGATATTAAGTTAGCTAATAGCGTCGACATTGGAACCTTCGTGACCTCAACAGGATGGGGAGAGAGTTA  
AAGATCCAGAATGGCTTATTGTGGTTGGCGTGTGCACGCATCTTGTTGCATTCCGTTGCCAATGCTGGTGA  
TTTTGGTGGGTGGTTCTGTCCGTGCCATGGTTCCCATACGATGTCTCCGGTAGGATCCGTAAAGGACCAGCA  
CCCTACAATTTGGAGGTACCTACTTACACCTTTTTGGAAGATAACAAGCTTTTGATTGTTAAGAATAGAAGAAG  
AA

>trans\_c\_3075 NM\_001066990|Oryza sativa Japonica Group Os07g0645400 (Os07g0645400)  
mRNA, complete cds

AGGAGGATGGGATAACTTGCTTGCTGTTATTTCCCGGAGGTTCTTCGGTTCCATTGCTTCCCAAGCATATATGTG  
ATGATGTTCTCATGGATTATGATGCACTAAAGGCTGTCCAGTCTGGATTGGGCACTGCAGCTGTAATAGTTAT  
GGATAAATCAACGGATATTGTGGATGCTATTGCAAGGCTCTCTATTTTTACAAGCATGAAAGTTGTGGACAG  
TGCACTCCCTGCAGGGAAGGTACGGGATGGCTATGGATGATAATGGAAGAATGAAAGTTGGAATGCAAA  
GCTGGAAGAAATTGACATGCTACAAGAGGTTACCAAGCAGATTGAAGGGCATACCATTTGCGCCCTTGGTGA  
TGCTGCTGCTTGGCCTGTGCAAGGTCTTATAAAGAATTTTAGGCCGGAGCTTGAGAGAAGGATTAGAGAGCG  
TGCAGAACGGGAGTTGATCCAGGCTGCTGCATAGGTATTCTTTCAGGAAATCCAACCTTTGATGGGAATTGCA  
AATAATGAAACTGCCCCAGATATTTGGTGTGTTCAAGCGTCTGGAGGTCATGTCTGCATTTTGTTTGCTATTTT  
AAAATGACTTATCAATGCCCTTAAGAACTCGTTTCCGGTTTTTGAAGTGGCTTTTGAGGCTAGAATTATTAAT  
ACACATATTTTTTTTTTTTATTTAGTGTAAATTTGAATGCCTCTCTTAACGCCATTTAATGGTTGGATACCTCTATG  
ATTATTTCTTGTTGTACTCTTCTGAACAGAGATTTTATCTCCCTGTGGAACATCAATAAATGGGAAAGTTAA  
ACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_3076 Novel Gene

AATCGACACACAAACAATCAAAACACTCGACAAAGTCTTCTTTCTTCCATTCTTCTCTCAAACCCAAGAAAAA  
AAGTTCTCCTTTTTTCAAACCTTCATCCATGGCGTCGCCTCTTTCTCCTCTTTCTTCTTCAACATTTCTTCTCA  
ATTCCCTCTCAAGCTCGTCTTGCAAATCCCTTTTCTTTTCCCTTCACCGTCACCGAACCTCGATTCCCC  
CCATCCCTTTTCCAGATGGCCATTATCGTCGATATCACCGAGTTCAAATCTTCTCCTTTTCTTCTTCTTCCGAT



CCCCTTTTCCCTCCGTCGCCGACCCACCGACATCCTCCGCTTCGATCTCCCTCGTCCTACCCCTGTTTCAGCAA  
CAACCCAACTTCCCTTACGATTTACCTCTCTCCGCGATCGCACCAAGGATATTCTCAGCGTTGTTGTCGCTT  
TGCTCTTTGGCGTTGGCTGTGGCGCTCTCACTGCTGCCACTATGTATTTGGCTTACTCTTTGTTTACTGGTCAAT  
TCGGGCATCGCTCCTCTGTGTATGATGACTTTGGGGAGGATGATGATGATCTCAGTGATGATAACAAGGAGA  
ATATTAAGAAGATGGGTTATATCAACATCCCTGACGACGTTGCCCCGTTAAATCAGTGGGTTAGACAACGTG  
CACGATGTGCGCTGCGGATATTCTAACTGGCGGATCTCTACTTAACTGTTGACTTGTGTTGGACTTCATCAGCC  
CTTCCCTTATATATGTTCTCTTTTCAAGTTCAACCTCTTTAATTAATTTTTTAAAGCTATTTACAGGGACCTGTATTT  
TTAGACCTCTCTAATGGGTACTTCTTCACAACATTGGTAATTTAAGGTTAAGTATTCTT

>trans\_c\_3077 Novel Gene

ATTCCCATAGTTCTTCGGTCTGGGCGAGACTTCGGACTTTCAATTCCTTGTGTGCGATAGAACTAGAGAGATCT  
CTTTGGAATCAATTTTTCTTCCCTCAACCGGATTTCATGGCTCCGAAACCTGTTACAGTCCCGTTCCCGAAGC  
TTGGTACCCAACCTTGCCGCTTGATGATCTCTGTTGGCCTCATCGTTACCGCTTCCTTTTTTCTCTATGAAGCT  
ACATCTTCAGGAAAAACCGTAGTCTGGCCAAGGAACTCACTCGAGGAACAATTGCCTCCATTTTCTTGGGTTT  
TGGATCCTTGTTCTTGTTGCTTCTGTTGTTTATGTCTAACCTATTGAAAGCACATCTTGAGAATCTGTTCTT  
ATTTAGCAGGGTCAGTTCTACATGTAAGGTGCTGGTAATAGAACTACTTCTAGAGACGGTGCTTTTTTTAAAC  
AATGAGGAATGAACATTTTTGAATTTTTATTGAGCATTATACTCATAAAATGCAATATGTTTGAAGGAATTTTG  
TAGGGTTGAGAAATGTGTAGTGCTGAAGAAATCAGCTTTTTGCTAAAAATCTACAATTATGTAGAAATCAGCT  
TATTATCATTTTACTTCTGGGGAGGGCTTTGGTATTTTATAAATCCTTCCCAAAGACCTAAGATCTCTGTTAAT  
CAGAATGGGAAGCTTGATTTGACCAAGCCCTTTGTAGCCATTGAGTTAGTTACTATAGTTAGGGTTTTAGTCT  
AAGTTATAATAGTTTGGGTTTAAGGTGTAACTATTATTTTAGTCTAAGTAATAATACTTTGAATTTAGGATGA  
AAGTTATTTATGTTTGGTTAGTAAATAGTAAATATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3078 EF614285|Malus x domestica cytochrome b5 (CYB5) mRNA, complete cds

AATAAAATAAGAAAAATCATTTCTTGCCATATCGATAACTAAGATCAAGAACCCATCTGCGTTCTGTAATCGCT  
CGGGCTTTGCCGCAAACAGGGATCCGAACAACACGTTCCCTCTCAGCCATTTTCTCTTGATAAATGGCTTCG  
GATCCGAAGGTTCTGCTATTCTGAAGAAGTGGCAAAGCACAACAAACCAAAGATTGCTGGCTTGTTATCTCTG  
GGAAGGTTTATGATGTAACCTTTTCATGGAGGATCACCCCGGAGGTGATGAAGTATTATTGTCAGCAACTGG  
AAAAGATGCCACAAACGATTTCTGAAGATGTTGGGCACAGTGATTGAGCAAGAGAAATGATGGACAAATATTA  
CATCGGAGAAATTGATCCTTCAACGGTACCTTTGAAGAAGATTTACATTCCATCACAACAAACACAGCACAAAC  
CAGACAAGACACCTGAGTTTGTGATCAAGATCTTGCAGTTTTTGGTTCCCATGTTGATTTTGGGTTTGGCATT  
GCTGTTGACACTACACCAAGAATGAATAAATATCGATTATGTTGGTAGAAAAACGTTCTCTTTAATTTTTCT  
GTTTTAGCTTCTTGCTTGTGATTTTATGTGGGGGTTGGTCTGAGACTAGAGTTCTCTGGATTGGCTTTTGTATT  
CTACTTTTAATAATAAGTAAAGCTAAGTGCTGTCCTTTTTTCTTTTCCAACTTTTTCCCTTCCTTTATTACTCTG  
CCCGTCTCTTTAGGTTAACTTTGATCCATTTTATTCTTTAGAACTCAAGGACACAGATGTACAGCCTATAGAA  
CATATTTTGTTTAAGTAAGGTTGTGATCCCGTTTCATTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3079 NM\_111955|Arabidopsis thaliana AL2 (ALFIN-LIKE 2); DNA binding / methylated  
histone residue binding (AL2) mRNA, complete cds

ATAAATAGCGTGGATAAAGCCAAAAACCAAAAAACCGAAAGCCAACTCAACGATCCGTACAAGAGGTTCCAA  
GTTTATCGATGCTGCTCACTGGGCAGTGATCACTCCGATCTCTCGACTTCTGCAAATCCCATACCAATTTACT  
CTGTATATCAAATGGCGTCAATATCTTCAAGCCCTCGTTCCGTTGAAGACATCTTCAAGGATTACAACGCTCGT  
CGCACGGGCCTTGTGCGAGCCCTCACTTATGATGTCGATGAGTTCTACTCGCTTTGCGATCCTGAGAAGGAGA  
ATTTGTGTTTGTATGGACATCCGAATGAGTCTTGGGAGGTGACTCTGCCGGCTGAGGAAGTTCCATCCGAGCT

CCCTGAACCTGCGTTGGGGATCAATTTTGCTAGAGATGGGATGAAGCGTAGAGACTGGCTTTCGTTGGTGGC  
TGCGCACAGCGATTGTTGGTTACTTTCACTGGCGTTCTATTTTGGTGCTCAACTCAACCGCAATGAGCGGAACC  
GACTATTTAGTATGATCAATGATCTACCCACTCCATTTGAAGCTGCATCCGGAACGAAAGCTGTTAAAGACAA  
ACCCAGTATGGATAGCGGAAGTAAATCTAGAAACAGCACAAAGAGCTCACTAGATGGGTCGACTAGAAACAG  
CAATCCAAAACACTTGAAGAGAGTTATGGAGAGGACGAAGATGAGCATGGTGACACACTCTGTGGAAGCTG  
TGGTGGGAACTACAACGCGGACGAGTTTTGGATTGGATGTGACATCTGTGAGAGGTGGTACCACGGAAAATG  
TGTGAGGATAACACCTGCCAAGGCTGAGAATATCAAGCAGTACAAATGCCCTCTTGACAGCACAAAGAGAGG  
AAGACTGTAGTGC

>trans\_c\_3080 NM\_001036467|Arabidopsis thaliana PEX11D (PEX11D) mRNA, complete cds

AAGCTGCTGCTGTTGCTGAGAGCCTTAAATCCCAGCTTTTAGCACTACGGAGCACACAAAAACGAAGCAGACT  
TCCCAGTTATTGTGCATAAGTTTAAGAGATGAGCACATTGGACGTAACCAGAGCAGAACTTGCCTCGTTGTT  
TTGTATCTGAATAAGGCTGAAGCCAGAGACAAGATATGCAGAGCTATACAGTATGGTTCAAAATCTTGAGCA  
ATGGAGAATCTGGAACAGCACAGAATGTTGATAGATCCACTGCCTTAGCACGTAAAGTCTTTCGTCTTTTCAA  
GTTTGTCAATGATCTTCATGGACTAATCAGCCCTACTCCCCAAGGAACACCTCTGCCCCCTGTTCTTTAGGGAA  
GTCCAAGAATGCTTTGTTATCAACTTTTCTATTCTCGATCAAATTGTTTGGCTCAGTAGGACGGGCATCTATAA  
GAACAAAGAACGTGCAGAGCTGATTGGCAGGATATCACTGTTTTGTTGGATGGGTTCAATTTGTTCCACA  
TTGGTTGAGCTTGGAGAGCTTGGGAGGCTTTCCTCAGCAAGAAAAAAGCTGGAGAAGGATCTTAAGAACAGG  
AATAAATATGAAGATGAGAAATACTGCGCAAAGGTCAAACAATCAAATGAACGGTCCCTTGCACTGATTA  
GCCGCCATGGATGTTGTTGTTGCAATTGGACTGCTTCAGTTGGCACCTAAGAAAGTAACCTCTCGCGTTACTG  
GAGCATTTGGATTTGTCACCTCTTTGATATCATGTTATCAGTTGCTTCATCTGCACCAAAGTCCAAGGCCTCCC  
AAAGAAAGAGACTCTTTGTATGAATCTCATTTAAATAATTATTTAACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_3081 Novel Gene

ACAATAGTCAACACACTTCTCCATTTTACCTTCAATTCACTTGGAAACATCCCACCCATTTTCATCCATTCCTTTGT  
TCCCAATTTAATCTTTCAGGTTGAAGAATTTCTCTAGGTGTTGTTTTCTCATATGGGTCATCAAGTTCTGCAAT  
CTTTTAGTAAAAGGGCGTGTGGAGTTTCGTTTATGCAATGTATCAGGTTTCACCAACGAATTACTGGAGATTCA  
CTCGGATGATCCATCATTGCACGTATTGTTCACTTCTGGAAATCCAGGGATTATTTCATTTTATAAAGATTTTGT  
CGAATCACTGTATCAGTTGCTTGGCGGTCATGTGTCTATAACAGCTATTGGGCATATATGTCAAACGAAGAAG  
GACTGGGAAGGTGGAAGGCTGTTTTCAATACAAGAACAATTGATCATAAGGTTGAATTTGTTAGACAGGAG  
TTACAGAATAAAGACATCCCCTTGATACTGGTTGGACATTCTGTAGGATCGTATATCTCCATTGAATTGTTCCG  
CAGGTTCCAGGATCGAGCGGTGTATTGCATTGGATTGCATCCATTTATGATGGTGAACAAAGAATCACGTCAG  
CAATTTTTATCGAGAACTTGCAAGGTCTCCACTGCTATCAACTTTTTTTCTTCTTTGTTGCCTTGTGGGTA  
TATTACCAATTCAAGCTTCAAGTTTTGTTGTGAGAAAACTATTGGGAAGTCATGGTCCAGAACTGCTTGTGAG  
GCTGCTTGCTCTCATTTGCTAAAGTACCATAGCATGCGAAATGTGCTATATATGGGCATGACAGAGTTTGAGA  
AGTTTTCAGAAACACCAGATTGGGCTTTTATGAAGAAAGTGAGTCAGAAATTATCATTTTTTGTCTGTATGG

>trans\_c\_3082 AM503586|Lotus japonicus mRNA for parvulin-type peptidyl-prolyl cis/trans  
isomerase (pin1 gene)

CACACCATTGTTGAGAGCTCGCGACTATCTGCTCCACCAATCCAAGTGAAAGAAAAAGCGAGGGCGGCGCCA  
CCGATCCTCTTCTCCGGCTGACAAAATAGATTCCGATCGCAAGCGGAAGAAATCGGCTCATTCGATCTCCTCTA  
CGGATCGAACTGCGAAGGAAAAAGCGTAGCAGCAGCAAGAAAAACAAGATGTCCTCTTCGGCGCCCACTGGTC  
AGGTTAGGGCATCGCATATACTCATAAAGCACCAAGGTCGCGACGTCCTGCTTCGTGGAAAGATCCGGAAG

GCAGAATTATCAAGAATACCACTCGTGAGAGTGCCGTCTCTCAGCTTACTGTCATTGAGACGACATCATTTCC  
GGCAAGGCTAAGTTTGAGGATATTGCTACTCGCATCTCTGACTGCAGCTCTGCCAAGCGTGGCGGCGATCTAG  
GTCCTTTTGGGCGTGGCCAGATGCAGAAGCCATTTGAAGAAGCAACATTTGCCCTCAAGGTTGGAGAGATAA  
GCGACATTGTTGATACCGACAGTGGAGTTCACATCATCAAGCGCACTGCTTAACTTCTCTCATGAATCTCATG  
GCTTCACTTATGAAGCATTTAACCATTGCGCCGTTAGCCAAATCAAAGTTGTTCAAGTAAGATTTGTTTCTTCT  
GCTTCAGGCCACACGAATTTCTTACTATAATACTCTCTTGATAATCCATGTGATTTGGTTATAGCTACTCTGTTT  
CGGTGACACTGAAGTTGATGCTTTTTTATGCCATTGAATTTTTGCCTTTGTAAACGCGACAACATAAACATTA  
AAACTGGTTGTGGTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_3083 Novel Gene

AAAGGTTAAAGAGAAGGTGAGAGGGCGTTAGGGTTTTAGAGGGAGATTTGAGATTTGAGGTTTCAGATTTGT  
CAATTGCAGGGAGTAGCCATGAGTAGGAGCTTGGGAATTCCAGTGAAGCTACTCCATGAGGCCGCGGGCCAC  
GTTGTATCGGTGGAGCTTAAAGCGGTGAGCTTACAGAGGAAGTATGATCGAGTGCGAGGATAACTGGAAC  
TGCCAGCTCGAAAACATCACCTACACTGCTAAGGATGGTAAGGTTTCACAACTGAGCATGTTTTTCATCCGAG  
GCAGCAAAGTCAGGTTTATGGTCATACCAGACATGCTGAAGAATGCTCCAATGTTCAAGCGTCTTGATGCTAG  
AATTAAGGTAAAGGCGCCTCACTTGGTGTGGCAGGGGCCGGGCTGTTGCTATGCGAGCTAAAGCTCAAGC  
GGCTGGCCGTGGAAGTGCACCTGGTGGGGTGCTCCACCATCTGGCAGAAGGTGATGAAAACCATGAATATA  
GTTTGTATATCCTTAGTTCAAACCCTAGAAAGTCATTGGAACATCGACCATCAAGTTTTTACTAGTTCCGGGTA  
TTGACATCATCAACATTGAAGAGGGCTATATGCAATTGTTCAATTTGTTGAAAATGGGCGATTGACCATAATAT  
CACCAACTTGATAATCAACTATTTACTTCAGCCCAATTTTTTTTTTTTTTTTGTGAGATCAAATTTCTTTACCCT  
TCTTGTTTCATCTTTGCCATGTATGTATTGGACGTTCTTGCATCTTATCACCATAGGAGTAATGTCTTTGTGCCAT  
TTATTCTACTTCTACCGTTGGCTGTATGTTATGGGTTGAGCTATGAATATGAGACTGCCTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_3084 XM\_002879089|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleic acid binding protein, mRNA

ATTCCACCTCTGGTATTTCTCTCCGCATGATCGAAGGAAGATCTATTTAGCTTCTTCATTTTGAAATTCAACAG  
GTATTTGATTGTGAGGAACGTCCCAGCCTTGGGTTGTGGAGATGGCTTGCACAACTGTTCTCCTCTACGGG  
AACCTTGAAGAGTGTAACCCATGGATGCAAATTTGATGAATTCACAGACGTTTATTTTGTCAAATTTTCATTG  
GTCACCAATGCCAGGTTTGCAAAAAGAAAATTGGATGAGTTTGTTCCTTGGTGATCGGCTCCAAGTCTCTTA  
TGCGCCTGAGTTTGAAAGCTTGGTTGATACAAAGGAAAAGCTAGAAGTTAGGAGACGAGAAGTTTTAGCACG  
ATTGGATTCTGGCAGACCAAGAGGATCTGCAGTTAGTTCAACAACCGCAAAGCTTACAAATCCTTCTCGCTCTA  
ATTATACTCTTGAACAGAAGAACTCTTGAATAAGGAATTATGGAGATGCAGCACTCATTTCCAGTCCCCAT  
GTTTCTCAAATGACAAGAGTTTCTCTGACCAGGATTACTTCGCATCCGAATCTATGAATCAAATGTGCATCT  
CGTCAGGGAAAAGCTTGATAAGATTCAATCAAGCAGCGAACATCTGCAAGCTGGACCAGCGAGCAAGAAATC  
ACGTCTGGACAATAGGAGGAGAATCTAATGCTAGCTGGCCTCTTTATAGAGACAGTTAGTAGGTGTCTCAACG  
TTGTATCAAAAGCTATTTTGACATATCGCATACGCCGATTTGCGGTGTACAAATTGAACTGTTTGGCCTTTATT  
TCAAAGGTGAAAAGGAATAGTGCATGCAACAAGTTCTGTAGAGGAGTGTTTTATTGCCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_3085 NM\_120008|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT4G38470) mRNA,  
complete cds

TTTGTGTGTTCTTGAAAGTTTTTCTACTCCTCGCTGATCTCCCGGCCGGAGAGGGGATATATATATATATCTT  
TTGGATCTTTCAAACGGTTTTGTTTTGACTTCGTTTTGTGCGCTTCTCCTTTCTCCCATGGCTATGGACGATACC

GAAAGCTGTAGTAGTAGAGCGGTGGATGACTTCTCAGCTCAGACTTGGAGACAGAAGCAGAAGGTTGGAGT  
TTACGACGAAGTTCCTTCGTCGACTCAGGCTGTGCGACGAAGCGGAGACCAGCCTTCCTGGTTTTGAGGATGAA  
CTCTGGGCTCATTTTCATCGACTTCCTACTAGGTACGCTACTTTCGACCTAGTTTTAGTCCTTTTCGCCTCTTG  
CTTACTTGGAATCTGAATCCGTTTCATCGTGTTTTCTCCGTCTTCTGTATCGTTGTACACTGGCGCTTTAACGACT  
GTGTACTTTTTCGCTAGTGCAATCCGATTTGAGAAAAAATATTTTTCTTCAGTTATGCTGATCAATTACGCTTTA  
CGGGGCTTTGATCACGAGGAAATTGGAGCAGGATTGATGAAGCGGAAAAGTTCATCTTTATTTTTATGTTATG  
CTGATTTTTCTTCTTGATGTTACACTTCTTAGATGTGCTTCTGAAGGAAAAGGAAAAATAATTTGTGGCTTGA  
AGCAGTAATTCTCTATAATGTTTGTGTCATTGTGTTCTGTCGCGCGTTTGTGTTTTTGTATATGAAATATA  
TACTAGCTTCACTAGGCAAAATCGATAGAATACTGTACTTGTGTTCAAGATATTATTCAACAGGGATGTAAA  
TTTTGAAGTCTCGGAACATATGATAAATTATAATTAGACATAGCCAAAACTTCATGTAGTTAAAACTC

>trans\_c\_3086 XM\_002876351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

ATTTTATTCATAATTATTTAAATACCAAATTCAAATCTACAAAGTTCCTCAAATTCAAATTCAAATTTCTTCTCGTT  
AATCATCTCTTCATTTCTTCTCACTAAGATTCGCACCACATTTTTCTGAACGAATTGGAATTTGGTTTTCTG  
ATATCCGCAAAATCAACGGATCTCATGGAGGCAAAGATTGGCAAATTGTTCAATCCGTTTGTTGTTCTTCGG  
CGGTGGCGACCAAATCCCTTGGTGTGATCGTGATGTTATCGCTGGGTGTGAAAGAGAAGTTGCGGAGGCCGA  
TGAAAGTGCCTCGGAAGAACGCAAGAATGAAAGTATTATGAGGTTATCATGGGCACTAGTTCACTCAAGGCA  
ATCTGAGGATATCAATCGTGGCATAGCAATGCTTGAAGAGGGAGAACTTTATTTGCTGGCTGTTGGATATTA  
CAGAAGTGGTGAATATGCAAGGAGTCGGCAGCTTGTAAGACAATGTTTAGAGATTGCACCTGATTGGAGGCA  
AGCCTTAACACTTAAAAAGACTGTAGAAGATAAAATTGCAAAAGATGGAGTCATCGGTATCGGCATTACAGCT  
ACAGCGGTGGGACTTATAGCTGCCGGGATTGCAGCAGCAGCAAGTCGTAGAAATTGAAATATCTATTCAATA  
CATGCACAAGTCAAGTGCTTGGCCATGAGAAGAATCTTTAACAAAACCAAATATTGTTGAAAGCAAATATCT  
CATATAGTTGTGCATTATAAGAATTTTAAATTTCAACACTAGAAATCTTATTGTGCTCTTTTGCTCATTTATTT  
TTCTTTTGATGAAAAATAAGTTACTAGTTTCACTATGTTTACCTTCTATTCTGTGCACTTTCTCAACGCTGAA  
A

>trans\_c\_3087 Novel Gene

CTCCAAGGCGAATGCAGTTTCACGCCTCCTCCTCCCTCATCTAGCTGCTCCGATTGTTAAAGAACTTAAAGCG  
TGCAGCGTTTATCAATCATATGGGAGACGTGGCGAAAGATCTTCTTGCTGGGACTCTTGGGGGAGCAGCTCA  
ATTGATATGTGGGCACCCATTTGATACAATTAAGGTCAAGCTCAAAGCCAACCTGTTCCGCTTCTTGCCAAAC  
GTCCCAAGTATTCTGGAGCGATGGATGCTCTCAGACAAACCTTAGCTTCAGAAGGCCCAAGAGGTTTGTACAA  
AGGTATGGGAGCTCCATTGGCTACAGTTGCTGCACAAAATGCTGTTCTTCACTGTCAGGGGACAACCTAGAG  
TCCTTCTTTAGGCCTTATCCTGGTGCCTCCCTGAAGTTAAGCACCAAGTAGTTTGTGGGGCTGGGGCTGGCGT  
TGCTGTGTCTCTGTAGCTTGTCCTCACTGAGTTGATCAAAATGCAGACTGCAAGCTCAAAGTGCAGTAGCAACAT  
CCAGTTCAGTTGGTGTGGCAGTGAAGTATGGTGGTCCGATGGATGTAGCCAAGCATGTTCTCCAATCGCATG  
GAGTGAAGGGTCTTTTCAAGGGTTTGGTTCCAATTTGGCCAGAGAGGTGCCTGGGAATGCAGTGGTTTTTG  
GTGTATATGAAATGCTAAAACAACACTTTGCAGGAGGTCGAGACACTTCTAATCTAGGAAGAGGGTCTCTGAT  
GGTGGCTGGTGGTATATCTGGAGCTGCCTTCTGGCTAGCTGTGTATCCAATGATGTGGTGAAGAGTGTGATT  
CAAGTGGATGATCTCAAGAACCCAAAGTCTCCAGTTCTATCGATGCTTTTAAAAAATCATGGCTTTAGAAAGA  
GTTAAAGGC

>trans\_c\_3088 NM\_001160784|Arabidopsis thaliana metalloendopeptidase (AT4G20310) mRNA,  
complete cds

ACTGACGGAAGGGGACGTGGCGGCCCAATGCCAGGAAGATGGAGGCGAAGTAAGAGATCCATGGCTCAGG  
TCGACGTTACGCTCATATTCCTTCCCTACTTCCGCTTACCACATCTCGCAAAGGTATTTCAAATGCCATTTCTG  
CTGGTACTGCGATTACAAGATCACCTCGTTCAACGAACCTATTTTCCAATTTGGACGAAGGCATGCCAGGGCTC  
TGAGAACATGGTTCTCGATTGGGATTGGTTTCTCTCTTGGCGCTCTTGCTGTTGTTGCCACGGTTTATGCCGAC  
GCTTTCTTTTTGTTGTTTATTCTATATATAGTTTTAAAACTATCTTGTTATCCTATGCTTTCTTTCCATTTTTCAA  
ACAACAATCTAACTCGACATGTCCAAAAAAAAAATGGAGATAGCTGGGTCATAATAGGAGAAATAAACGAG  
GCAGTCACACGGAAATGATCACAAGAAGCAACACTTTTCTTATTGAAAAAATGTTCAAGAATCAGCCTACATA  
TATAGGTGGCAATGGCTACAGCTGAAGCGGGACAATTTACTCCAAATTAGTTATATTACAACAAAATGGAAGC  
CCATCAGCTGGATGCCTTAATATCCCCTGAAAGCCAATGTCTGAATCTTCTCAAACACGAAGTTTCTCAAGGAG  
AGTTAGAAAAGGTCGATCTGACAGTGGCTTGGTAAATATATCAGCTACTTGTGGCTTGATCTGTTGCTGGGAG  
ATGATGAACAATGAGTTTATGAAATTAATGACCAATCCTATATGTTAAGTCTGAGAAGACAATATAGGATTGA  
CACTAAGATGAACCACTATCAAGTTATCATACCATACTATGGGCGACTTGGAATGAGAAATATGTTCTTTAAGC  
AAA

>trans\_c\_3089 XM\_002870397|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata auxin-responsive family protein,  
mRNA

ACATCTTCTCTTCTCAGTTCCTTTCCAAAACCCCCCAATCCGCCATGGCAACAAAACCTCCAATCCTTTTTTCATC  
GCTGCTCTGTTTCTTATCTTTTTCCCTTCCGCTTCAGCGCAAACCTGCAGAACCTACAATGGTTTCGCCAACA  
ATGAAGTCTTTCAGCTTGTGTAGATCATCCAGTTCTCAACTCTTTCCTTCATTGGACTTACCATCCTTCAAACCT  
CACTCTCAAATCGCCTTCAGACGCCCTTCTACCACTTCCAATCAATGGATTGCTTGGGCCATTAACCAGCAAA  
GCCTCGCCATGTTTCGGTTCTCAAGCTCTCATCGCTTACAGAAATTCCTCTGGTCTTCCCCATGTTTACACTTCAA  
GTATTGATCTACCTTTTCCAACATATGCAACAGAGCAGCTTGAGCTTTGAAGTTCCTCAACTTCCGCCACTTATA  
CCAACAGTGAAATGACTATTTTGAACCTATTAATCTTCCCCCTGGTTAACCCTATCAATCAGGTCTGGCAAG  
AGGGTCCCATGAATCAAGGATCTCCAGCTTCCATAACCCTGTCGGTGACAATCGACAGTCACTTGGTACTCTG  
GATTTGCTTACTGGGTCTAGCACCGTGGCAGTGGATTCTGTTCTCAAGAGAAGAAACATTGAGGATTTTGA  
ATGCTGTGAGTTGGGGGACCTTAATGCCCATGGGAGCCATTTTCGCTAGATATTTGAAGGTCTTTAAGGCTGC  
AGATCCTGCTTGGTTTTACCTTCATGTTGCCTGCCAGACCTCCGCTACGCTGTGCGGTGTTGCCCGGTGGGCTA  
CCGGTATCAAATCGGCGGCGAGTCGGCTGCAGTTCAATACACTACTCATCGCAACATTGGGATTGC

>trans\_c\_3090 XM\_002873177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T-snare sed 5 (SYP31), mRNA

ATCTTCAATTTCAATCCAATGCCTTGATTTTTCTTCTTACCACCACCACCACCAGCGGCAAATGGGTTCCG  
TCTATCGTGATCGGACGTCGGAATTCGTTCACTATTGGAGACGCTGAAGAAGATTGGCGGAGCCACATCCGC  
CATCAATCAAACCTCAAATGAACCATCGGCGTCTATACCCTCCGGATCACCGGCCTTTGCACGATCAGAATTCA  
GCAAAAAGGCCTCCCGTATCGGATTAGGAATCCAAGATACCTCTCAGAAGATCGTGAGGCTCGCTCAGTTGGC  
GAAAAGATCATCAATGTTTGATGACCCAATCAGGGAAATACAGGAAATGACTGCTTTGATTAAGAATGATATT  
ACATCCTTAAATGTAGCTATCACAGACTTGCAAACCATCCATAACATGGAGACAACAGAGGGGACTTATTCAG  
AGGATAGAGTGGTTCATTCAACAGCTGTCTGTGATGACCTGAAGAGCAGACTTATGGGTGCTACAAAACAGC  
TACAAGATGTGCTAACCACGAGAACAGAGAATATCAAGGCCAATGAGAGCCGGAGGCAAATATTTTCTGCAA  
ATGCATCTAGGGAAAGTCCTTTTCAAATCAAGCCAAAGCTGTAACCTCAACCTCCACCATGGTCAAGCAATACA  
TCTGGAAGTGCTCAATCATCACTGTTGTATCAAATGGAGCTCAAGTTGGGGGTCAATTGAGACGAAGGTTAG  
CTGTGGAGAACATGAACACCCCATCACAGCAAATGGAGATGTCGATGTTACAGCAGGTGGGTCTAGGCAGG  
AAATTATTCACAAAGTCGTGCAATTGCTCTCCATAATGTGGAATCCACATATCAGAACTCAGTGGGAATTTTC  
ACATCTTGC

>trans\_c\_3091 AL161511|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 23

TTAAACACAGCAAACATATCGAGAATCCCTGCATTTGTTGCTGCTAGGCAATTCAATTCTTTTAGCTCCAAAGA  
ACCATTCACAAACCACCATTGTTCTTGTCTTGTAAATAATCGATGGCTCAAATTCGTTGGAAGATGAAGG  
CTGTAAAGCACGAATTTTACTTCATATTTATGCACCTTGAGACTTCATTGGGCAAGGATGATGAATCTGATC  
CATCTGAAACAAGTGGTGAGGAGGCAGTATGGTTGCTGTGAGCGTTTCCAATATAGTTCCACACTTTTCGACA  
CAGTAGTTTGATTCTTCGGCGAAACAGACCCCAAGAGTTTTTTGAGAAATGAGGCACACATTGAAGTTCATCA  
ACCTGCGTAAATCTGCTTTCGTCGATGTTTAGAAATGATATGATCCCTCGCTTATCGATTACCATATTTAGAG  
CCAATGGTCGATGTGTTGCGGTTAATAGAGCTCAAGTTCAGTTCGATCCACAAGCCCCACAGCTGTAATAAA  
CATCTCTGCGGGAAGAAGAAGGGAAAAGCGAAGCTGAGGAGAAGGATTGGATGTGAGTTCCATGGGCGTAA  
TCGTCTCCGAAGACCGGCGACTGCCTCATTCTTCGGGTTCAGAATACAACGGCCGTCTTCGATGGTGGGGGCA  
ACGGTTGACGGGGATATCGAGGTGGTAAATGGGGAATCGCAGTCGGTAGAAACGATGATCCAATTTTAAGA  
GTATCGATCAAAGAGTTAATATAAACAAGCTCAAGAATCAAAAACAGAAGCTATGATCTCAAAACACAAAAA  
GGAAATTGAAGCTGTACGAGAGGAAGTGTGGTGAAAGAGAGAATTGGAAGAAAATTATGATGAAGAAGC  
AAAGGTTGAAGAT

>trans\_c\_3092 XM\_002310777|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAAGATAGAAATTGAAATAAAATAAAAAATGAGAAAAAGAAGAAAGAAATGAAGAAGAAATTGGCTGGA  
TCCGTTTAAGGTCGAGAAGGCTGGGCCATGTCTTGATTGAAGCTCTCAGCCTCTGGTGGTGCCCAAGCACT  
CCTTGCTTCGCTGTTCTCCCTCACCTCTTCTTCTTCTCCTCTTCTCCGCTCCTTCTTCTTCTTTTTTTTTTT  
CGCTTACCATGCCGATTCTTACGGTTTTGCAACGACGACCACCAGGGATCTGGGGTTCTCATGTAGTTGAA  
TTTGGTGATTCTTGGTTTAAGATTTTATGTCTTCCCCTGTTTCTCTGTCTCGATCCATGTTCTTCTCTGATCTGG  
AGGGTTTTCTTCTCCCAACGAGCTCCTACATCTCTTTAAGAACGCATTGTGGACAGGGAGTTCTGGGTTTGT  
GCTGTTTTCTGTTCTCGATCTGCCTGATCTTTGAACAGGGTGGTCGGTGGGAGGCTTGATTTTGACAGTAAGG  
GTGCTTGTTTATGCTGGAGAAAGATGTCGCTTAAAGCTTTGTTAGAGAGCTGCGAGAGATGAAAGATGGAA  
TTGGGAGCATTCTAAGCGAGGAGAAGAAGGGAGTAGGCATTGGCGAAACCGGACAATGTCGCATATTGCA  
CCGGATCAAGAACCTTCTCCATTGGAGTTAATTCAGCAAGGTCGATGGGCAAATCTCCCCCTGAATTACTTTT  
AGACATCATCCGGAGAGTGGAAGAGAGTGAAACATCGTGCCCTGCCCGAGCTGTAGTTGTTTTTGTGCTTCA  
GTTTGTAGGTCTTGGAGAACCATTACAAAGGAGATTATCAGAACTCCTGAGCACGTGTGAAGGCTCACATTC  
ACCG

>trans\_c\_3093 NM\_001065049|Oryza sativa Japonica Group Os06g0705100 (Os06g0705100)  
mRNA, complete cds

AAAAAGGGTTAAGAAAAAAAATAAAAAAGTACAGAGATGGCAACATCCTTCCTATCAACAGCAAACACAT  
TCCATTCTTCCACACCTTCATCTTCATCTTCATCTTCTCCTATTCTTCACCTCCATTGTTGAGATCAAGATTTGGT  
TGCTTTATTGCCATAATAACACTAAACGACTGGTTATCTGCAAGAGTAGTAGTGACCCACCTTCCAAAATTCC  
AGCTTTAACCAAGAGAACCCTCTCAATCTGCTTCATTTCCAGTTTCATTTTCCCTCTTGTTGGGTCAGGGATTTTC  
CGATGCAAATGCTGCGATTCTCGAAGCTGATGATGATGAGGAGCTGCTGGAGAAGGTGAAGAAGGATAGAA  
AGAAAAGGCTCGAGAAGCAAGGGGTTATCAGTTCTGCCAATAAGAAAAAGGATACCTCCAGGAACCTGTGT  
ACAAGCTGAGCAAAGTAGGCCAAGCCATTGATGATAATGACTTCACAACAGCAAGTTCAGTTCTTGGGGGTA  
GTAGTGATGCAGATTGGGTCCAGAATGCCAATTTAGCCTTCAACAAGCTGAGTTCAAGTCCCGAAGAGAAATC  
TGAGGTGGACGCATTCAACTCCTCTTAGCTTCATTAATCTCATCAGTTACTAAGAGTGATGTTGAATCCTCAA  
AACTGCCTTTGTAGCATCTGCTAGTGCATTTGAGAAATGGACAGCCTTGGCAGGGCTTGTTGGACGGCTGAAG  
GGCCTTTGAGTTGAAAAACAACGATCTGCATCGATCTCATTTATTCTAAGAATGACCCACTGTATTTTTATAGT  
CTCCACCTATTTTTTTTCCCTCCCAATCCTTGCAATTAAGTCAAAGAAGCTGATTTTTCTTGTCATCTTCTCA  
CT

>trans\_c\_3094 NM\_112189|Arabidopsis thaliana methyltransferase/ nucleic acid binding (AT3G13440) mRNA, complete cds

AATCGCTACATGAAAAACCAATTCCTTACCCATCACTTTCCCCACCCCAAGATATCTTCTCCTTTCCCATTG  
TATGTGTCTCTTTGCTGCAGCTTTTCTTTGCCGGTCCAACACTCAATCTTCCTCGATACTACTCCTTGCTTCCCAT  
CGCCGACCATTAATCACTCTCTTCGGTCTTTCGGTTGGTTTCCATTTCTCACAGCAGTTTTCTCCTTTCCTGGT  
CCGGCACATGTCCTCTTTTAGAACTGCACAAATTCACCTAGTGAGTTCTCATCGTGAGGCTTATGAACCCTGTG  
ATGATTCGTTTGCTTTGGTTGATGCACTGTTAGCTGATCGAGTTAAATTGTTAAATCATAATCCAACATTCTGCT  
TGGAATTTGGTTGTGGTAGTGGCTATGTTATAACATCGCTTGCTCTTATTCTGGGAAAGGAAGCTTCTGCAACC  
CATTATATTGCTACAGACATCAATCCTCATGCAATTAGAGTCACTCAGGAGACTCTAGAAGCACATGGGCTTCA  
TGCAGAGTTGGTATGCACTGACCTTGCATCTGGTTTGGAGAAGCGACTGGCTGGATCAGTTGATGTGTTGGTT  
GTGAATCCACCTATGTTCCAACCCCAAGACGAAGTGGGTGAGGATGGAATTACTTCTGCTTGGGCGGGA  
GGGGAAAATGGTCGAGTGTCTTGACAGGATATTGCTGTTGCTGATGTCCTTTTGTCTGATAAAGGCTGGT  
TGTACATGGTTACTCTTACAGCAAATAATCCCTTTCAGATATGTCTTCAAATGAGAGAAAAAGGATATGCTAGT  
AGAATTGTTGTGCAGAGATCAACTGAAGAAGAGAGTCTTCATGTGATAAAGTTTTGGAAGGATGCTGATC

>trans\_c\_3095 XM\_002874025|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata esterase/lipase/thioesterase family protein, mRNA

TGACCCGTATCCAGCGCGTTCGGTGAAGTCTGAAGCATTGATATTCAAGAATTAGCAGACAAATTGCACCTT  
GGCACAAAATTTTATGTAATTGGATGTTCAATTGGAGCATCGGGTATTTGGAGCTGTCTGAAATACATTCCACA  
AAGACTTTTAGGAGCGTCCCTAGTGGTTCCCTTTCGAATTTCTGGTGGCCTTCAGTTCCTTCAGCTTTATCACG  
ACAGGCTTTTAGGAAGCTTCCTCAATCTTACCAACGGACGTTTCAGATTGCACATTACACACCTTGGTTATACC  
ACTGGTGGATTACTCAAAAATGGTTCCCAACATTGGGGGCTGATGGCATGTTCAGTGATTGAGATCTAGAGAT  
ATTAAGAGACTGTCCGGAGGCTTAAACCATAACCCGGAAAAAGTGGCGCAACAAGGTGAACATGAATCGCT  
GAACCGAGACATACTGACTGTCTTGGGAGAAAAATGGGAGTTTGATCCCATCATCGACGTGAGCAATCCATTC  
CCTGACAACAATGGCTCTGTTCATATTTGGCAAGGTTGTGAAGATCGTGTCGTTGCTTTGAGTTTAATCGTTT  
TATAGCAGAGAACTTCCGTGGATTGAGTATCATGAAGTTCCTGATGGTGGGCATCTAATAATTCATGATGCT  
GAAAAATTTGAAGCTATAATAAGGGCACTTTGGCCAGATGAGTCCACACTTGTCGGGTGACATTGCCATCGT  
GTACTGTACTTTGTATTTTATTAGTTGCATAGTATCCACGATAGATTTCCATTCAATAGTGCCAACAACTGATC  
CTCCGAAAGATAGATTAAAGATGAATGGGCATTTATCTTGCTGCTACTGATTGTGGTATGTACCTGGACTCGG  
GGTT

>trans\_c\_3096 NM\_114358|Arabidopsis thaliana RPL9 (RIBOSOMAL PROTEIN L9); structural constituent of ribosome (RPL9) mRNA, complete cds

AGAGCTTTTCAGTGTGTGAAAATTGAAATGGCTTCTATCACAACCTGCTCTGTCGTGGAGTTCTTCCCTTGTGGA  
TATGGGTCTACCAAATGTAGCTGGAAACATCGAAGAACTGCCAAGTTCTCATATGGAAGGACCGCCATGGCT  
GTTGTGGCGCAAAAGAAGGCTTCGAAGTCAAGAAAGATAATTTTGAAGGAGGATGTTCCGGACCTGGGAAA  
GAAAGGGCAGCTTATTGATGTGAAGGCTGGGTATTACAGAACTATCTGTTCCCATGGGCAAGGCCAGAT  
TGTAAGTCCAGTTTTGCTCAAGGAAATGCGGATTGAAGAGGAAAGGATCGAGGCTGAGAAAAAGCGGGTAA  
TAGAGGAGGCACAGCAACTCGCTCTGATTTTTGAACTGTTGGAGCTTCAAGGTGAAACGAAAAGGTGGAA  
AAGGAAAACAGATATTTGGAAGTGTACAGCACAGGATCTTGTTGATATTATCAAGGCACAACCTCAGAGGG  
ATATCGACAAACGGATTGTTGTTCTTCCGAGATCAGGGAAACAGGAGAATATGTTGCAGAGTTGAAGCTTCA  
CCCTGAAGTTACTGCTCGAGTGAGAGTGAATGTTTTTGCCAACTGAAATTATTTCTAGATAACAAGTTCATGTA  
GCAGCAACACATTTTTCAAAGGTAAATGATAACATATTTTGAGTTTATTTTCATCATATTCATCTAAACGTTT  
CGAATATGGTGATCTTTTTTTGAAGTGGACAATTTAAATTTTTTAACCATCTTCTAAGCCTTGAAAAATCATTGG

ATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3097 Novel Gene

AGCCCCTTTCTTCTCTCTCTCACTGCCAGGCCCATCTCTCCTCGACCTTCCTTCCTTCTTCTTCTCCTC  
TTCTTCCTTCTTCTTCTCTCTCTCTCTGCAATTTCTTTCTCCTATTCTCTATTTCTTCACTTTTGAGCTCCTT  
TTCCGGCAATGGAGTTGGACTGTGTAAGCTTCGTGGAGAGAACCATGTGGGAGCGCTCTGTTTTGGAAGCTA  
TGGCGGTGGAGACTGTTTTCACTGCAAACTCCCTTGCTTGCCTTCTGGCGGTGGCAGGAGCTATGTTAAA  
TATTGCTAATGGTACACCAGGATTGGCTGCAATTGAGGAGAGGTTTCCTTCTCTGAACCTTCACAAAAGGAA  
AGGCCTGATCAGGAAAACAAAGATGGTAGTGAAACAGAGGATGATGAAGATGATGACGATGACGATGACGC  
AAATGATCAGGATGACGACGACGACGACGAAGATTTCTCTGGAGGTGAAGAAGGTGATGATGGTATCCAG  
AGGACGATCCTGAAGCAAATGGTGATGGAAGAGCTGGAGGTGATGAGGAAGATGACGATGACGATGACGA  
CAATGGAGATGATGACGACGACGACGACGATGAGGACGAAGATGAGGACGAAGAAGACGAAGAGGAGGA  
AACACCCAGCCACCAGCCAAGAAGAGGAAGTGAGAATATCGATTGGCCCTCCAAATTGTTGAGTTTCGAGT  
AGCGAGGGAAGTTTAGCTAGTGTTAGCCTTTGCTTTAGGGGGTAGGAACATTGCGGGCCTTGTGGTAATGA  
ACTTCTCGTCTTATGTTTGTGATGTTGTGGATCCATATTATATAACAATTTCTTCTGGCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3098 XM\_002313880|Populus trichocarpa single myb histone (SMH901), mRNA

GAGAGAATCATAATTTTGACACCTCCATTTTTTTCTTCCTGTGCTGCAAATTTCAACCGAATTTTGAATGTTG  
AGCCTCCAAAATCCTAACTCACATCATAATCCCTCTGGAGTTGGCCTTGAGCGTGAGCCTTCTTTTGCTGCTT  
TTGATGGGTGCTCCGAAGCAGAAATGGACTAGTGAAGAAGAAGCAGCTCTGAAGGCTGGAGTTGTTAAGCAT  
GGAGCAGGAAAGTGGCGGACGATACTTAAGGATCCTGAATTCAGCAGTGACTCTATCTTCGTTCAAATGTTG  
ATCTCAAGGACAAGTGGAGAAATATGAGTGTCATGGCTAATGGCTGGGGATCTCGAGAGAAGGCCAGGTTG  
GCACTTAAGAGATTACATGCTCCTAGAAAAGACGAGAATGCTGTGGCTCCAAGTGTTGCTGCCCAAAGTGAA  
GACGAATTGGCAGAAGCCAAGTCTGTTCCCTTCTTGGATATCAAGCAGATAACCGGCCCAAAGCGATCTA  
ATGTAAGAAAGGAAGAGGAGGAGGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAGCAGAAAGAATAGAAAGGGA  
TGCAAGATATGATTGCCATAGACTGGACAATCTTATAATTGAGGCCATTACTACGCTGAGGGAACCCGGTGGC  
TCTAATAAGACAAAGATTACCCCGCATATAGAGGATCAATACTGGGCACCTCCAGACTTCAAGAGGCTGTTAT  
CATCAAATTGAAGTTCTTAACGGCTAGTCGTAACTGGTCAAGGTTAAACGAAAATATAGGCCTCCTTCTGT  
GGCGCCTTCAGAGAGAAGGAGCTCTATGTTATTGTTGGAGAACAGCAAAGAGCTACTGTAAGAGCTGACAAG  
GATGAAATGTGTATT

>trans\_c\_3099 AB531020|Malus x domestica MdTCP2B mRNA, complete cds

TCTTCTGGGATTATAGCCCAACAACCGTCGTCGTCTTCATCTTCACGGCCTGGCCATAATCAATCTGCGGGATT  
TTCAGGGCAAATCTTTTGGGGAATCCACACCAATTGCCGGTGTGCGATTCCACAATTTAACATCTCAGCCGCTG  
AAAATACTCAACAGGATCGGCTTCAACATTTCTCGTTCGTCCAGATAATTTGAACGACTATAATCTTAACTTCA  
CCATCTCTGCCGGCCTTGCTGGTTGCAATAGGGGGACCTTCAGTCCAATATTTACCGTCTCTTTTGCCTTACC  
TTCAGAGGTTTCTCACTTAGAGGGATCAAACGTACCCTTTTCATCGGAGCTGCATCGCCAACGACGGCGAC  
GACTCCCGTACAGTTGGAAAATCACCATCAGTTGACACCAGCATTATTTGATGGTAGCTGGCAACTCTGTTATG  
CTGATGGAAGCCATCACTCAGATCAAAGGGTAAAGGAAAGAACTGATGAGTTCTCAGAAAGCACATTTCTTC  
CACCCCATTTCCAGGTTGTGATGGTGGAATATGAAGATGGAGCACCAGAGAGTGGCCCTGCTCATCGTGAG  
TCCTCCATGTTGAGATCTCCACATTTTATGCTTCTGAAACACTTGATTTTCTTTGCTTTATCCCATTTTGAGTTT  
CTAAATTCCTTCTTACCTCTCGCATTGATTCTTATTATGTTTTCAAGTGTTTATGTGTAATCTTCCACAAGCAA



ATGCATGTTTTGTTGGTATTGAAAGTAGAGACGTAGAACAAACACAAATTTATGTGGAACTCTAGTACAGGG  
AGAAAACACGATGCTGATATTTCTTGTTATTTTTTTACGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3100 X64198|N.tabacum LHC-I mRNA for photosystem I light-harvesting chlorophyll a/b-binding protein

ACCACCGCTTTCCCTTCAGTCCTTTCTTCTTAAGTCTAAATTCGCAGCCGCTGTCCCCATTTCCGGTGTGCTG  
TCAATGCATCTTCCCGATTTTCCATGTCCTCTGAGTGGATGCCTGGCCAGCCCCGTCCCCCTACCTCGATGGCT  
CAGCTCCTGGTGATTTTGGATTCGACCCTCTTCGGCTGGGAGAAGTGCCAGAGAACCTCGAGAGATTCAAGG  
AGTCTGAGCTAATTCAGTGCAGATGGGCCATGCTTGCTGTTCCAGGGATTTTGGTACCTGAGGCTTTGGGATT  
GGGCAACTGGGTGAAAGCTCAAGAATGGGCAGCAGTTCAGGAGGCCAAGCTACATACTTGGGACAACCAG  
TTCCATGGGGAACTTTGCCACCATTTTGGTCATTGAGTTCCTTGCCATTGCTTTTGTAGAGCACCAGCGCAGC  
ATGGAGAAAGACCCTGAGAAGAAGAAGTACCCTGGAGGTGAGGGGTCTGACCCATTAGGCTACTCAAAGA  
TCCTGAAAAGTTGAAGGAATACAAAGTGAAAGAGATCAAAAACGGTCGGTTGGCGCTATTGGCTTTTGTGG  
GTTCTGTGTGCAACAATCAGCATACCCAGGAACAGGGCCATTGGAGAACTTGGCAACTCACTTGGCTGACCCA  
TGGCACAACAACATTGGCGACATTATCATCCCCAGAACAATTCGCCTTGAATTTTGTACTGAATCATACCAAT  
TGTAATTAAGTTTCTGTGTATTAATCTGAACTCAAGGCTTCCTCTATATGTGCCTTCGAAACGTGCTCTGT  
AACTTGATTTTGACCTTCAAAAAGTGCATGGTGTTACAATTTGAGGAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_3101 NM\_104107|Arabidopsis thaliana AtRABG3d (Arabidopsis Rab GTPase homolog G3d); GTP binding (AtRABG3d) mRNA, complete cds

ACACCACCAATTTTAGTTTTTCAGAACTAAAATTTTCCCTTCTTCTTCATCATCCTCTCTTTCTTTCAATTCGTAA  
TCTCTAAAATTCCTAAAATTTTCACCAATTCCTGTTTTTTTTTTCATCCATGGCTTCTCGTAGGCGCATACTTT  
TGAAAGTCATTATCCTTGGCGACAGTGGCGTGGGGAAGACATCGCTAATGAATCAGTATGTGAATCGTAAGTT  
TAGCAATCAGTACAAGGCGACTATTGGAGCAGATTTTCTCAAAAGGAAGTTCAGCTCGATGACAGGTTATTT  
ACGTTACAAATTTGGGACACAGCTGGGCAAGAACGGTTCCAAAGTCTTGGAGTGGCATTTTACCGTGGTGCTG  
ATTGCTGTGTTCTTGTTTATGATGTGAATGTTATGAAATCATTTGATAATCTTAACAAGTGGCGAGAAGAGTTT  
CTAATTCAGGCGAGTCCGTCTGATCCTGAAAATTTCTTTTGTGGTATTGGGGAACAAGGTCGACGTTGATG  
GTGGGAACAGTAGAGTGGTTTCTGAGAAGAAAGCTAAGGCGTGGTGTGCTTCAAAGGAAACATACCATACT  
TTGAGACGTCTGCAAAAGAAGGATTCAATGTCGATGCTGCATTTCAAGTGTATAGCTAAAATGCCCTTAAGAA  
TGAACCAGAAGAAGAAATATACCTTCCCGACACGATTGACGTTGCAGGTGGACGGCAGCAAAGATCAACAGG  
GTGTGAATGCTAAAATGTAAACTAACTAATGGATTCTGTCTACTTCCTTCACTGTATCTTTTCTGTTTAATGG  
TTCTCACACTATATGGTCAATTGTATTAACATGTAGTGGTCTAGAGATTGCTGGTAAAGTGTCTACGTCTATT

>trans\_c\_3102 NM\_126210|Arabidopsis thaliana phytanoyl-CoA dioxygenase (PhyH) family protein (AT2G01490) mRNA, complete cds

TTTCATTTCTTTCAGTTTGAGCGAAAATCCAATAGGTAGTGCTTGGAGTCAACTCCACCATGGGAATTGTTCTT  
AATCTCAATTCGGATCAACTCCAATTCCTTCACTCTCACGGTTATCTTGTGATTGAATCATTCGCCACTCCAGAT  
GAAGTTCATGCCATGAGAAACCGGATGGAAGTGTGCTTCATGGATTTGACTGCTCCACTTCCTCTGTTTTCTC  
TACTGTTAATCAGCAGCTGTCTACCGACGATTACTTCCTACAAAGCGCTGAGAATATTTCTTCTTTTTTTGAGG  
AAAAAGCATTGAGAGAAATGGAACTTGAAACAAGGAAAGAAGCTCTCAATTAACAAAGTTGGTCATGCAT  
TACATGAGTTAGACCCAGTTTTCAAAGCTTCTCCGACTCTGAGAAGTTTTAGGTTTATTGTTGTCATTGGGA  
TACAAGAGGCCGATAGCCATTCACTATGTACATATTTAAGCAACCAGGTATTGGAGGTGAAGTAGTGCCTC  
ACCAGGATAACTCGTTTCTTACTGAACCAACTACATGCACAGGGCTGTGGCTGGCACTTGAAGATGCAAA

TACGACAAATGGCTGTCTTTGGGCTATTCCTGGATCACATAAAAATGGACTTGTTAGAAGGTTTCTTAGAGGC  
GACAAAGGAGTGACTTTGATCAGCCTTCTCCTACTTACGACAAGAAAGATTTTGTGCCTATTGAAGTGAAAG  
CTGGATCTTTGGTTGTCATTCATGGAGACGTTATTCATCAAAGCTTTGAGAATCAGTCTCCAAAATCAAGACAT  
GCGTATAGCCTGCACGTGGTGGATACGAAAGGTTGTGTATGGGCTCAAGATAACTGGATTAGGAGAAAAGTG  
CAAC

>trans\_c\_3103 XM\_002890106|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata TMS membrane family protein,  
mRNA

AATGAAAGTAGGAAAAGGAGACCAACCAACAACGAATTACATAACCGAAGTCAGTCTCGAATCTTGATCTCT  
CATACGATTGTTGCGGTTGCTTGGCGATTGATCCTGGGAATTTTCTCCTCAAATCTCTTCCAAGGCAAGCTTTT  
AAACTGGTGGCTGTGTGAGGAAAAAAGATGTGGGCAGCTTCTTGCCTTGCCTCGTGCTGTGCAGCATGCGC  
ATGTGATGCATGCCGCACGGTTGTTCCAGTATTAGCCGAAGGTCTGCAAGGATTGCATACTGTGGCCTCTTC  
GCTCTCTCCTTGATTGTTTCTTGGATTCTCAGAGAGGTCGCTGCTCCCCTTCTGGAGAAAATCCCTTGGATTAAT  
ACTTTCCATGAAACACCTAGCCGAGATTGTTTCAAACCTGATGCAGTCTTGCAGATTAGCTTGGGAAATTTTCT  
CTTCTTACCATTCTATCTGTAATGATGGTTGGTGTAAAACTCAAAGGGATCCCCGGGATAATATTCACCATG  
GTGGATGGATGGTGAAGGTTATTTGTTGGTTCCTTCTGGTGGTACTAATGTTTTTCATTCCCAATGAGATTATT  
ACCTTTTATGAGTCTATATCAAAATTTGGCTCAGGATTGTTTCTTCTCGTTCAAGTTGTTCTTTTGTGGATTTTG  
TTCATAGATGGAATGACACATGGGTTGGATATGACGAGCAGTTTTGGTACATTGCCTTATTTGTTGTTTCACTT  
TTCTGTTATGTGACAACATTTGTCTCGTCTGGACTTCTCTCCATTGGTTCACACCGGCAGGACATGATTGTGG  
GCTCAACACCTTCTTTATTGTGATGACCCTAATTTTTGCATTTGTTTTCACAGTTGTTGCACTGCACCTGCTGC

>trans\_c\_3104 NM\_128177|Arabidopsis thaliana calmodulin-binding family protein (AT2G26190)  
mRNA, complete cds

AAGCCAGTGCTGAAGAGCCAATTTTTGAGCCTTTTCATCCTTACTCAAACCTTCCCCACCTTGGCCGCTCTAGT  
TCTGGCCCTGGCCACCGGGAGACGGCGGTTTCCGGCTTCTCGACGTTAAAAAAGGAAACAGAGCTCCGTTTC  
AAATTGGCAGAATCGATAGCCTTCCACCACAATTCTTCAACAAGCACCGCACAACTCTGCAAGATTTCTTCTCGT  
TCTATAACTTTTATAAACCTTCTGCAGCTTCACCGCTGCCGCATCCAGTTCACCTCACCGGCCTAGGTGAGAACAT  
AGCTGCCGGCTCCGGCAAAGAAACAACCGGAGTCGCGGTCTTTAAATTCTCCGACCCAGAAATAGAGAACT  
AAAACCCGCATCTTCAACAAGTGATTAAATGAGAGATTGTTTTGAGAATCACTTTCTCCGGTTTATTCCCTTT  
CAAATATTTGGTTTACTTCTAGTTGCTCTGTTGTTACCGCTTCTTCTCTGTAATTTGAAGCTATTTGATTTT  
AAAAACAGAGCTTTATCACTAGCGGAGAACTCGAATTTTTGAATATGATGAACAACCCTTGATCTATAATTTT  
CTTCCAGGCAGAAATGAGAAGTGAAAGGGATAAACCCATGAATCAAAATCCGAAAACTAAATTAAGAAGGA  
GAAAAAAATTTTAAAAAAAATGGGATTTGAAGTTTATGATGAGGGAGATTTGTTGTGAAAACTCTGTTTTT  
TATATAGTGGAGGAAAGAAAAACAAAACAAAGAGATGAGAAAGAAAAATCAAAGGCAGGAGTTTGTGGGTT  
TGTTTTGAACGTTTCAAAGAAGTTTGAATTGAAGAATGTGTACAAATGGATTGAGATTATTTTGATTTTGGGGA  
TT

>trans\_c\_3105 XM\_002879927|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata atoep16-3, mRNA

GGGCTTTCCANAGCTTCATCAAAAAAAGCTTTGGTCATCGTTAGTGACTTGAAAAAAGAAAGGGAAATTCAT  
GGATGCTTCAGAGCGTAGGTATTTGGAGGATGATGATACGTCGTTAATGAAAACGATTAAAGGGGGCAACTAT  
GGGATTTGTTTCTGGGACCATTTTTGGGACAATTGTTGCCACTTGGTATGATGTGCCCCGTGTTGAGAGGAAT  
GTTGCTCTGCCTGGGCTTGTGAGAACCTTGAAACTTATGGGAACTATGGGATGACATTTGCTGCTATTGGAG  
GGGTGTACATTGGCGTTGAGCAGCTTGTGCAAAATTATAGAATGAAGAGAGACTTCGTTAATGGAGCTGTAG  
GTGGTTTTGCAGCTGGAGCATCTGTTCTTGGATATAAAGGAAAAAGCATTTCAACAGCTCTATCCGCTGGAGC

TGCTTTGGCATTACTTCTGCAGTAATTGATATTGGTGGTCAAACCACAAGAATTGATACTGGCAAGGAGTATT  
ATCCTTACACCACCAAGAAAAGATCCCACATTGAGTAGCATTAGGGAACCTTGCAGCAATTGGAAGAGAAGA  
GTTGGTTGGCTTTCTCTTTTGGTTTTCAAGAGATGTAATTATACTCTCAGTTTCTCTTTGAGTGAGCTTAACAGG  
GAGATGGTTGTATGAATAAAAGGTACTGTCAATTTGTTTATCTTGTTTTGGTTAGTTTTGGACTTACCACCATT  
GATACAAGTTGGAAGCCTTTTTATTAGCAATTTAGGAATATGAATATCAAGGTGGTTGTGAGAAATTGTTAATT  
GCACTCTTTTTTCTCTTTATTCAGGGTAATTTAATATCTCAACTTAAATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_3106 NM\_001064494|Oryza sativa Japonica Group Os06g0588900 (Os06g0588900)  
mRNA, complete cds

ATGTTTACTTGTTTCGGTTTCATTCATAAGAATCTCTATTTATCAAGGTTAGAGTAAGAAATGGAGTTGGATAG  
CATTAAAGATGCATTTGATCGTGTGACAAAGAAGCAGAAATTATCTTCTCCAAAAGTCAAGAAGTAGTTGAC  
CGGATCCATCTGGAACCTGGAACAGGTGCTACAAAAGATACAGCTAGCTGATAATCCGGAATGTCCTATTGATT  
TGAATTCAGTTTTTGTGAACTCAAACTAAATTGAAGGATATTGCCCCACTCACTCAGCTCGATAGCACACAA  
AAGGAGTTGAATGCTGCTCTGACCAAGTATCCAAAGCTTGTTGAAAAATCTTCAATCCAGATATATCAAAAG  
CTTATAGAAACGTTGATTTTGATAGGCATACTGTTAACAGATTATTGCTAGTCATTTCTATCGCCAGGGTATG  
TTTGAACCTGGTGACTGCTTTATTAGTGAGGCTGGCGAGTCAGAGTCTGCTGCTTCATTGAGGTCTCCATTTC  
GGAAATGTATCAGATCCTTGAATCCATGAAGTCCCGGAATCTAGAGCCAGCTCTGAACTGGGCTCTGAATAAC  
TCGAATAAACTTAAGGAATGTGGGTCGGATCTTTTGCTAAACTTCATAGCATGCAGTTCATGGAGATTCTACA  
GAAGGGAGATAGACATGATGCTTGAAGTACGCTAGGACCTACCTTGACCTCTTGATCTAACCACATGGCT  
GAACTTCAGAAGCTTATGGCTTGCCTGTTGTGGACTGGAAGGCTTGATTGCTCCCCATACTCTCATTCTCAATT  
ATTATCAGTAGCGAATTGGGATAAAGTTGCTGAAGAGCTTATACGACAGTTCTGCAATTTTCTTGGTCAGTCCT  
ATG

>trans\_c\_3107 XM\_002870397|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata auxin-responsive family protein,  
mRNA

AACCAATAATCCCTATTCCCTCCATCTCAGAAACAACATCTCAACAACAAAAGTCAAAACAATTACCTGAAATC  
CATTAGTCCACCATGGGAATGAAGCTCCAAAGCTATTTCTCTGTTTTGATCCTCTTCTCTTTATGCCTCTCAGC  
CTCAGCTCAAACTTGCAGAAGCTACAATGGATTTACCAACAACGAAGTATTTGCAGCTTGTGTAGATCATCCA  
GTACTCAACTCTTTCCTTCATTGGACCTTAATTCAATCAAATAATACCTTGAGAATTGCTTTCAGACGCCCTTCTA  
CCGGTCCTAATCAATGGATTGCTTGGGCTATTAACCCACAAAGTCTCAACATGATTGGCTCTCAAGCTCTTGTA  
GCTTACAGAAATTCCTCTGGAATCGCTCGTGTACACTTCCAATGTGGCTTTGCCTGGTCCAACCCTGCAAGA  
AAGCAGCATAAGCTTTGAAGTTCCTCAACTCAGAGCCACTTATGTCAATAACGAAATGACCATTTTTGCTACCA  
TTATTCCTCGAGAAAATCTAACCACAATTAATCAAGTATGGCAAGAAGGCCCTTTGAATGGAGATTCTCCGGCT  
TCTCATGCCATAACAGATGCCAACAAAGCTTCAAGAAATACCCTCGATTGCTTACTGGATCAAGCACAGCAG  
CTTCGGATACCGTTCAAAAGAAGAGAAACACTCATGGAGTTTTGAACGCTGTTAGTTGGGGAACATATGATGCC  
TATGGGAACAATTTTCGCTAGATACTTGAAAGTTTTCAAAGGAGCAGATCCAGCTTGGTTTTACCTTCACGTTG  
GTTGTCAGGCCTCCGCCTACGCCGTCGGTGTGCGCGGTTGGGGCACCGGTATAAACTCGGCAGCGATTCCCT

>trans\_c\_3108 NM\_001068407|Oryza sativa Japonica Group Os08g0433200 (Os08g0433200)  
mRNA, complete cds

ATGAAACCGTAATGAAATTTCTCCTATTTTCCAGCGATTTTGTGTTGAAGTTTTTGCCTGCGGGATACTTAGATT  
CGGAAATACGAATATGCGCGCCGTCCATAGGGAAGATTCTTTTCACTAATTCGCATCTCTTTTTCTTTATGCC  
CTTCTCCTTAATTTTCCAGCATCCAAAACCTCCCTGAATCTTGACCTTAGCTTAATCCCGCCGCCGCGGCATCT

CAATACTTCAGTTCAACATAGGAGTTTGCCTGGACAGAGTTATTTTGTTCGATGCCGGCAGATTCTTGCTGGC  
ATTGAGAATGATTGAGCTAATTACTGAACTCTGATGGGTATCCAGAATAAATCAAACCTAGTAGAGCCCTT  
GAAGGTCTCCATGGAGTTACCATCGTGGCTGAGTCACAAATTTGCGGTGGAAAAGACTACACAAGATGGGGAG  
TTTTCTCAAAGTAGTTGTGGAAATTCAGCTATAAGTGTGAATCAGCCATTTCTAAAGCAATGGGTATGGGAGC  
AAAGACCATCCTGTCTGAGACCTGTCGGGGGTGTATACAAGGTGATCGAAATTTGGCAGAGAGGGTGGCTA  
ATGTGCTTACCTCACTTCCTTTATTGCTCTTGAATCCAGGCACCTAGGAGGAATTTCTCAATGAAGCTATATG  
CTAATTCATTGATTGGAGTCGGAGTTGCCTCGAGTTTATATCATTCTTCTAGAGGAAAAGTGAGACAATACCTA  
AGATGGGCCGACTACACAATGATAGCTGCAGCCACAGTGTGTCTTACAGGAGCTCTGAAAAACGACAACCCA  
AAGTTGGTGATGGCTGCATCTGCACTTCTATTGCCTTTGAGGCCCTTACGGTTTCTGCTCTTCACTGGGAT  
GAT

>trans\_c\_3109 AY124815|Arabidopsis thaliana At1g70420/F1707\_4 mRNA, complete cds

ATGTTATCTTGTTATTAATCTCTTTAAAAATCCATTCCCAAATTCCTCCAATCTTCAAATCCCTAATTTAACAATCC  
AATGCAACAACAACAACCACCACCCAACCAATTTAGCCCTAATGGGCAATCAGAAGATAATGAAGTTCTT  
GATGATTTTTCTTTCGTTTGTCTAAATCCCGATGGCTCCCCTATCCGTGCCGAAGACGCCTTCTCAACGGCCAG  
ATTCGCCCTGTATTTCCCCTCTTTGATCAACGGATTTTATCCGACGATGTCAACGGAACGACGTCTCAGCTGAA  
GAACCTATTCGTGGAAGAATTCAGTGAAGTCTCAGACTAGGGCGGCGCGCCGGTCTAGGGAAGAAGA  
GCTATTCGACGGGGTTTTCGAAGCTGTGGCGGTTCCGGGGATAAGATTCCGCGGAGCAGTAGTGAAGGGAAG  
GAGGAGGCGTTTCTGTTTTTGAGAAGTGCTTCGTGCGGAAGCGGACAGAAAGCGGAGAAGGAGAAGGAGA  
AGAAGAAGAAGAAGAAGAAGGGGGAAACGGCGTCGTATTATCACGAACGGCATTACGCGAGGAATAGAGC  
GGAAAATGAAGTGAATAAACGGAAATCGTATCTGCCGTACAGAAGTAATTTAATGGGATTCTTCACTGCTCCT  
AATGGATTGAACAGAAATTATTGATTAGATTAATAATTTTGATTGATTTATTTATTTATTCCTTCAATTCATTTG  
TTTGTATATATCTGTAGGTTGGTTTTGGTGGAGATTAGAGATTTTAAAAATCTCAAACCTGTATTAAGTTGA  
ACTAATACGTAGATTCCACTTTTATGTTTCATGTAGAATTTCTGTACCTTTAGCAATAGAGGTTATATATGTTGC  
TCCTCAT

>trans\_c\_3110 NM\_121539|Arabidopsis thaliana plastocyanin-like domain-containing protein  
(AT5G15350) mRNA, complete cds

AACATTGGAAATACAGAGCAAATGGAAGTCCTAAGAACAAGGGTCGGTGGCAGTGGGCTTCTGGTGGCGGT  
TGCGGCGGCAGTGGTGGTACTGCTGGCGTGGTGCCGGAAGTTTCGGCGACACGGTGGACTGTCGGTGGCA  
ACATGGGTTGGACTACTAATGTGAACATAGTACCTGGGCTCAGGGAAAGCACTTCTACTATGATGATTGGCT  
CTTTTTGTGTATGACAGGAACCAAATGAATGTGTTGGAGGTGAACAAGACAGATTATGAGAATTGCATTTCT  
GATCATCCACTCCACAATTTACCACAGGAGCTGGAAGAGATGTGGTTCATTTGAATGTCACCCGGCCTTATTA  
CTTCATAAGTGGCAAAGGCTTTTGCTATGGAGGCATGAAGCTCGCTATCCATGTCGAACACCTACCTCCCCGC  
CCTCGGCCTTGCCCATGAACGAAAAGAGCAGTGCTCTTAGATCTACCTACACTGGCCACACCCCATTCGTTTTA  
ACCGCTGTTTTTGCCATTGCTGCTGTATTTGAAGCTTTCTCCCGGGTTTGGTAGAGATCAGTTCTTATTTGATTC  
ATATTCAATAGAGTACATTTTTCTTACCAAATTGTGGAAGGAAAGGAAGATCAAGTTGTTAATTCTTCTTTTC  
ATATTTTTTTTTGAAGGGTGTAGTGTCTTTTTGTGTTATCTTTGCTTTCATTTGATTTAGACTTCAATATTCAA  
AATAGTTTTTTTTCTTTTTTCCATTTTCAAATTTAAAAGTTTGTCATTTTTGTTGTTGGGTGGTGGATATAAA  
AATCGTAAGGATTGAATTTTGATAAGACTCTAATTTATTTGTCGTGTCGTCTTAAATGGTTTTGCAAGCAA

>trans\_c\_3111 U51192|Glycine max peroxidase precursor (sEPa2) mRNA, partial cds

TCAAGCACAAAACCTGTTTCCTCCAAACAGGTTGAAGACATAGATAACAGAAGTAAATTTACAGATGAGAATG  
GAGAGGCTTACTTTTTTGGTGTAGCCACTATAGTTGGGCTTCTAAGTCTGATAGGCTCCACTCAAGCTCAGCT

AAAGCTTGGTTTCTATGCCAAAAGCTGCCAAAAGCTGAGAAGATTGTACTAGATTCGTTCCACCAGCATATCC  
ACAATGCCCCCTTCATTGGCAGCAACTTTCATTAGAATGCACTTTCATGATTGCTTTGTCAGGGGTTGTGATGCA  
TCTGTGCTCATAACTCCACCTCAAATAACCAAGCTGAGAAGGATTCTCAACCAAATCAAACACTCAGAGGCTT  
TGACTTCATTGATAGAGACAAAAGCTTACTTGAAGATGAATGCCCTGGAGTGGTCTCTTGCGCAGATGTTCTTT  
CCTTGATTGCAACAGATACCATTGTAGCCACAGGAGGACCTTACTGGGAAGTTCCAAGTGGCCGAAGAGACG  
GAGTGATCTCAAGATCAAGTGAAGCTTTGAATGACATTCCTCCTCATTGGAACTTGTCACGCTCCAAAGA  
CTTTTCCCAAACCAAGGGCTTGATCTAAAAGACTTGGTGTACTATCTGGCGCTCACACAATCGGCATAGCACA  
CTGCCAATCATTAGCAATCAACTCTACAATTTACCGGGGTCGGAGACCAAGATCCCTCTCTAGACCCAAGAT  
ACGCCGCTAATCTGAAGGCTAACAAATGCAGAACTCCACCGCCAACAACAAAGTGGAAATGGACCCAGGAA  
GTCGCAACACTTTTGACCTTAGCTACTATTCTCTTCTACTAAAAAGGAGGGGGCTCTTGAATCCGATGCTGCT  
CTG

>trans\_c\_3112 AY338488|Medicago truncatula cyclin T1 mRNA, complete cds

ACCAGTAAACTATATACTTATATACGTACATGCAATATATAAGTGTGTGTGGAAGAATTATATTTTCTTCTGAT  
GTGTATTTTGTACGACGGTGGGAATTTTGGGTGTATTTATATGTGGGGTTAGCTTGCATGCGTTCAAGCACGA  
TGAGATGAGAGTGCTTGATGACATTCCAGACCAAATCAACATTTACCTCGTTTAGAGCTGAAGATGGCGGGTT  
GCTTTGAGAAGTTTGATTGTTGGCGACTTTTAGTTTCGGTTGCATTAGTCTCTGGAATCAAAGCCCCCTGCTGC  
CAAATTTACCTGGGAGTTTGATGTATTCTGTATATGGGGTATAACATATGTCATATGATAATGATACTATCGGC  
AATCTTCCAGACATTCTTGAAATATTCCACCTGAGCTGCTGCGTTTAGTTGGCTAAGGAGCTCACTTTGGCT  
TCAGTTTAAGCCCCAGCAGATAGCTGCTGGAGCTGCTTATCTGTCTGCCAAGCTATTGAATATGGACTTTGCTC  
CTTATCAAATATCTTGCAAGAGTTCCAAGCAACGCCAGCCATTCTCCAAGATGTGGCCACCAGTTGATTGGA  
GCTATTCTGAAGATGAAGCACACCCAGTGAAGTGAATGATGGGAAAAGATAACATGTTTGTGATTCTTACGT  
CCAAGTCCTCAATAGTCAAATCCTGACAGTTGGTTTAGGTTATAGTATGACTATGTTGGAAGGTTTAACATGAA  
TGATTCTTCATTCCCTTTCCATGTTCAAGACAGTGTTTACAAGTAAAGTAGGAAACACGTATTCAATTGGCGA  
ACGGAGTCGGATGGTTATACAAAAAAGCCTCACTTATGGTCTGCCCTCTCTCACATTGGCTCTTTTGATTG  
C

>trans\_c\_3113 NM\_001050729|Oryza sativa Japonica Group Os01g0739200 (Os01g0739200)  
mRNA, complete cds

AGTTTCCTTATAATTCGTATTCCCTGTGGATCATTCCATTTTCATCCACCTTTCTCTCCGCTCGATTCACTAAC  
TTTACAGATTCTCTCACTCTTCATCTCTTTATTTTTGTAATTTCAATTTCTTTGCTTTCCAATCCCATACCCCTT  
TTCCCTCAATCTTCTACACTACTTTCATTTTTATTTTTCTGAGATTTGCTTTGATTTCTCCCAATTCCTTG  
GATTTTGGATTTTCTGATCTGGGTTTTTGATTTTTTCATCTGGGTGTTGGATTTTGTCTGGGATTTTGTGGG  
ATGAAGATCGTTGAATTGGAAGATGCTGGAAATGATCGGGAAAATGAAAAAATCGGTAGTGGTCAGATTGTG  
AAAGTCGATGCCAAAAGAGCTTTGGTTGGTGCTGGGGCTCGAATCTTGTTTTACCCTACCCTTTGTATAACGT  
GCTTCGGAACAAAATGGAAGCTGAATTCAGATGGTGGGATGAAGTTGATCAGTTTCTTTGCTAGGTGCAGTG  
CCCTTCCCAAAGACGTGCCAAGATTGAAGAAGCTTGGTGTGGTGGTGTATCACTCTCAATGAACCTTATG  
AAACTCTAGTTCCATCTTCTTGTATTACCGCCATGGAATCGATCACTTAAAGATCCCAACAAGAGATTATTGTT  
TTGCTCCTAAGTTTTCTGATATTAGCCGAGCTGTTGACTTTATTCACAGAAATGCATCATCTGGTAAAACGACAT  
ACGTCCATTGTAAAGCAGGACGAGGAAGGAGCACAAACATTGTGCTTTGCTATTTGGTAATATCATGTACCTT  
TCTTGCAGAAACATTGTACTATTGTGGGATAAGTAGAAGAAGAAATGAACTTTGGAGATACC

>trans\_c\_3114 AB576162|Solanum lycopersicum LLP mRNA for LOV/LOV protein, complete cds

ATGGAAAAATGGGTATTTGGGACGAAATTTTGTGATCACAATCTACGCGATATTTTTCATTATTATGTTAGTA  
ATATGGTGAAACACTCGCCGTTACCAAGTCTACTCTCTCAGTGAGGACCCCTTCTGATTCCATGATAAGGATTC  
AATTTAGGGTTTTTGTGTTTCTCCTTGATTTTACAAATTGTAGTTCAAAGTTTCTTCGAGAGACTGAAACCG  
CGATTTGAGTGACACATGGGATTGGGACTAATCCAAATTTTGTAGGAAGAAACAAGATTCTGTCCAACAATTTG  
ATGAACCAGGAGGATGGAATTGCCACTGGGTTTGATTGAACAATCGCTTAACAGTCGTTATTCGCTATGGGTT  
CGTGAAGCTCTTAACAATTTGTCTGGATAATTTTACAATAACTGATCCCAATATAGCAGGTCACCCAATAGTGTT  
CGTCAGCCCTGGATTCTTGAAGACGACTGGATATACCAAAGAAGAGGTGATTGGCAAAAATGGGAGAATGTT  
TCAGGGCCCAGAACTAGTCGGAGCTCAGTAATGCCAATTCGTGAGGCAGTTCGTCAAGAGAAGGAGATTCA  
AATTAATTTACTAAATTATCGCAAAGATGGGACACCCTTCTGGGTCTTTTTCCAAATGACCCCTGTTTTAGCAA  
GGAGGATGGACGAATCATCCATTTTGTGGGTGTTTCAGGTGCCAATTTTGAAGAATTCAAGGAAATCTAGACGT  
GGGTTCTTAAGAATACAAGGTGTTTCATATGAGAATGAATTTAGAGCTTGCAAAAGTTTTTTAGGGTCCTGTC  
GCCGAGAGTTGATGTCTGATTCTATCTCGGAAGTAGATTGTACTTTGAATAGAGACCCACAACCGGATTCCGA  
TAGTA

>trans\_c\_3115 NM\_121029|Arabidopsis thaliana NRPB4; DNA-directed RNA polymerase (NRPB4)  
mRNA, complete cds

ATCTCTTCCCTTTGTTTAATAACAGTTCATTGTTTTCTTCTCTCCGGCACTACTGCGGTAGCCAAACCCCTCT  
CGCCAGACACCTATCACCACCTAACAACCATCTTTGAGTTTTCTTTTACCCTTCTCTCCGCTGCCTCCATTA  
TCTGTCTCAGCACGCTTCAGCAGTCAATTTCTCTATTTCTCCCTGTCTGCCGGCACGCTGCTACCAGAACCTG  
CAGAACTCCATCTCGAGGTTGACACAGAACTCCAATTCAACCATGTCCGGGGAGGAGGAAGAAAATGCTGC  
TGAGCTTAAAATTGGAGATGAGTTCTTAAAGCCAAATGTTTAATGAATTGTGAAGTTTCTCTAATCCTTGAAC  
ATAAATATGAGCAACTTCAACAGATGTCCGAAGATCCAACAAATCAAGTTTCCCAAGTGTGAAAAGTCACTT  
CAATATGTGAAACGCTTTAGCCGTTACAAGAATCCCGATGCTGTTAGACAAGTTCGAGAAGTTCTAAGCAGGT  
ATCAGTTGGCGGAGTTTGAGCTTTGTGTTCTTGGAACCTTTGCCCTGAACTGTGGAAGAAGCCATTGCCAT  
GGTACCATCATTGAAGACCAAGGGAAGGGTGCATGACGATGAAGCAATTGAGAAGATGTTGAATGATCTTTC  
ATTAATCAAAAGATTTGAGTAGTTAGTTAATTGTGTAAATCCGTTTCTAATGCAGAATTGCACCCTTTTATAATT  
TAAAGTTACGACTTTATGGTGAGTTTGTGATTGGGATCCTCAACCGTCTTGAGGATCATAACTCTTTGATATT  
TATAAGGACTTATTATGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_3116 DQ304537|Cucurbita maxima translationally controlled tumor protein mRNA,  
complete cds

CGGTCTTTCTCGAGTTCGAAGTAGTGGTCTGGAACCTGGTTGCCCTACTCTCTCTCGTCCCCCATCAATTT  
TCTTGCAGGAGCGATCCGGAGATTCAATTTGCAATCATGTTGGTTATCAGGACCTCGTTTCTGGTGACGAG  
CTTCTCTCGGATTCGTTTCCATACAAGGAAATTGAGAATGGAATGATTTGGGAAGTTGAAGGAAAGTGGGTC  
GTTAAAGGAGCAGTTGATGTGGATATTGGTGCTACATCTCAAGCTGAGGGTGGCGGTGAAGATGAAGGTGTT  
GATGATCAGGCTGTGAAGGTGGTCGACATTGTTGACACCTCCGTCTTCAGGAGCAACCTCCATGGACAAAA  
AGGTTTTCTCTCATGCATCAAGAAGTATATCAAAAAATTGACACCTTGCTGCAAGGAGAGCAACAAGAGGC  
ATTTAAGAATAAAATTGAGGGAGCAGTTAAGTACCTGCTTCCAAAGGTCAAGGACTTGCAATTCTTCGTTGGG  
GAGAGTATGGCCGATGATAGCGCAATGGTATTTGCATACTACAAGGAAGGAGCTACTGACCCAACATTCTTAT  
ACATTGCCCTGGTTTGAAGGAAGTCAAGTGCTGAAAGAACAAAACCTTTGGAGCAGAATGCTTCATGTAGCAT  
TATTAGTTTCTACTATATTTGCCTTTTTCTCATGACATTTGAATTTGGATGGTTTGGGCTGTTTTGTTTTGGTTT  
ATTTTGGGTTTCTTGTGTTTACCTGTTTACTGGGAGCTTATGTTCTGGTGAGTGCAGAAGTTTATTTTATGC

CTAATGAATCTCTATTTTTATAATGTCAACAGCGGATGGTTTTCTGAAATTCTTCATTCACCTTCGCAACGTCAC  
CG

>trans\_c\_3117 XM\_002881019|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

ACAGACGGTTGAGGAATCCGTTCAAATCCAGAACCAAAAGCCACAGAAATTCATTCTCTACAATCAAGACG  
TTTTCAATGTCGGGGAAAACAAATTCATTGGCGGCGGTAATGGAGGCGGCGGCGGAAAGGTCAGGCCGAT  
TGCCAGTGGAACAGACGGCGATGGATTCAATCGGTCAGTCAATTATCCCACGTCATGCCAGACGGGACTTCC  
CAATTGTCATCGATTGGGGCTTCGGCTGAAGAAGAATCATCGATAACAGGGGGAATCATCAGAGAAGAAGA  
GGTTTCTCTATGGAATTCGATTCTGAAAGAAGCTTCGGAATAAAATCTGCTTTGAGAAATGAAGCAATCGAT  
GAAGAAACGGTGAGGAGATTGGTATCGCCGGTCATAGCAAACATTGAATCGGATAATTACGTGGAGTATTTT  
AGAACAGAGCTTTTGTACCAAACGGGATTATCCCAAGATCCTAATAATCCACTCCTGCTTACTAATTATGCCCA  
ATTTCTCTGCCTCGTTGCCCATGATTACGACAGAGCGGAGGAATACTTCAAGAAGGCAGTGGCAGTGAACC  
GCCGGATGCAGATGCGTTCAACAAATACGCGACGTTCTTATGGAGAGTGAGAAAGGATTTGTGGGCAGCGG  
AAGAGTCATTTCTGGAAGCCATTTAGCCGAGTCCGGTAACCCATTTTATGCTGCAAAATACGCCAATTTTCTC  
TGGACCAATGGTGCTGAAGAAACGTGTTTAGAAAATTTTAATTTCCCTAAACCTTCAATAAATAAAGGAAA  
AGATCATAAAATCCCAAGTTTCGCAATTGGAAATGCATGGCGGTTTGATCAGTGACAGGATTTTTGTTGGGG  
AAATATTCATCCTAAT

>trans\_c\_3118 XM\_002867209|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata vesicle-associated membrane  
protein 7C (VAMP7C), mRNA

TGATTTTGATTTTTTAAAAACCTAATTTCAATTCCTCTCTCTCTCTCTTCGATGATCTTCAACGCCTAAATTTCA  
AGCTGGCGTTGAGAGAATCAAGATCCTGATCTTCCCACCACGTACCGGCTGCTTCAATTCCTCATCGACGTA  
CTTTTGCAGTCGATTTTATCCTAATAAATCCACCAACCAATCATCTCTCTCATGGCGATAATTTATGCGCTGG  
TGGCAAGGGGATCGGTGATTTTGGCTGAATTTCCGCAACTCCCACGAATGCTAGCTCGATTTCTCGCCAAATA  
CTCGATAAGATTCCCGGAAACGATGATTCTCATGTTTCTACTCTCAGGATCGCTATATCTTTCACGTCAAGCGT  
ACCGATGGCCTTACGGTGCTTTGTATGGCCGATGACACTGCCGGAAGGAGGATTCCTTTTGCATTCCTTGAAG  
ATATTCATCAGAGATTTGTAAGGACATATGGCCGTGCAGTTCATTAGCCAATGCTTACGGCATGAACGATGA  
ATTCTCAAGAGTTCTGAGTCAGCAAATGGAATACTACTCCAATGACCCAAATGCAGATCGGATCAACCGGCTG  
AAAGGTGAAATGAGCCAGGTGCGAAATGTCATGATAGAGAATATTGACAAAGTTTTAGAGAGAGGTGATCG  
ATTGGAGCTGCTTGTGGATAAACTACTAATATGCAAGGAAACACCATGCGATTTAGAAAGCAGGCTCGACG  
TTTCAGAAACACTGTTTGGTGAAAAATGTTAAGCTTGTGGTAATGCTGATAATCCTCCTCCTAGTGATTGCTT  
ACCTGGTTTTGGCTTTTGTGTCATGGAGTGACATTACCTACCTGCCCTATATGACAACAGCAATTTGTCTTG

>trans\_c\_3119 NM\_001160916|Arabidopsis thaliana RCD1 (RADICAL-INDUCED CELL DEATH1);  
protein binding (RCD1) mRNA, complete cds

CGATGATGATGAAAAAGGGTTAGATACATAGCATTCTGTCATGTCATATTGGGAAATGTGGAAGTTGTCGCT  
CCTGGATGTGGACCATATCATCACAGCTCTGTAACTTTGACAGTGGAGTAGACGACCTTCATAATCCAAGTC  
AATATTTAGTTTCTATGTTAATATGAAAAGCCACATTTTCCAGAGTATGTTGTAAGTTTCAAGATATCATCAA  
GTCCTCTTGAACTGGGCGACAGGACAGTTGCAGTTAAATTGCTCTTCAATTGAATCAGAGGAGGATTGCGT  
GTCTTCGCCAGCTCCCAAAAAGAGATGCTCGGAAAAGCATGATCATGGATCTAGCTCTTGAAGACTCCGAAG  
TCCCCCTGGATGCCTTTTCCAAGGTTGTTGAATGCCATTTCAAAGACGTTTCTCTCAATGACATGAAATTGGTT  
TATGGTCATTATGGCTTATTTAGAGAAAAAAGATCAGCAGGGATGAATTCGTAAGAAGGTTGAGGTCCATT  
GTTGGGGATCAGTTACTGAGGTCTACGCTAACGAGTCTCCAGTGAAGCCACCTCCGAAGTCTCCATGTACTTC  
AAAAGTTCCAAAGGAGGAAGAATGTTGAGGCTGTTGGTAAGAGTCTGTATTTAGGTGCTTCCGTCATGGGG

>trans\_c\_3120 X77763|N.tabacum NtK-1 mRNA

>trans\_c\_3121 AY054639|Arabidopsis thaliana protein kinase-like protein (At3g59350; F25L23\_210)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_3122 NM\_104739|Arabidopsis thaliana ECHID (ENOYL-COA HYDRATASE/ISOMERASE D); catalytic/ naphthoate synthase (ECHID) mRNA, complete cds

[illegible]



TTTGGTCGTCTTAATGTCTTGGATTTACAGGTTCAAATCCGTCGTCTTCCGAAACCTGTTATTGCTATGGTGGCT  
GGTTATGCTGTTGGAGGAGGACATATTTTGCACATGGTTTGTGATTTAACCATTGCTGCAGAAAATGCAATAT  
TTGGTCAGACGGGTCCTAAGGTGGGGAGTTTCGATGCTGGCTATGGAAGTTCATTATGTCCCGTTTGGTTGG  
CCCTAAAAAAGCACGAGAAATGTGGTTTCTTACCAGATTCTATTCTGCTTCCGAAGCAGATAAAATGGGTCTC  
GTCAACACTGTAGTACCTCTGGATCAGCTGGAGCAAGAAACGATCAAATGGTGCAGAGAGATTCTAGGAAC  
AGTCC

>trans\_c\_3123 NM\_001049094|Oryza sativa Japonica Group Os01g0242900 (Os01g0242900)  
mRNA, complete cds

ACCAAAATCAGGAAACACCACCGCCTTATTAGAAACCGGAGACACCCATTCTCCTTTACGCCAAGCTCCGTCCA  
CCCTCCCTCCCAACTTTTCCGGCGAAATCGCAGAAGAAGAGAACTGCGACGACGAGACCTTCGCCGTCGTCTT  
GATATTCAAGAAACCTCTCTGATTCTTCTTGCAAACAATATGAGTGGCGACGGGAAAAGCAGCGTGGTAT  
TCGGCGATCCACATAGTCAATACCATTACGGTACGTTTCAGGGTGTTGCGAACTATTATACTTCTCCTCCACAA  
CCGCAACCGCAACCGCAGCCCCAATCTGTCGTCGGTTCCCTCAGCCGGTTGCGCCACCCGTTGTTTCTGGTCA  
TCAACCATGCTACCATGGTCATTTGGGTTACCAAGCTGTTCTGTTCAAGGTTATGCTATCCTTGAGGGAAGAC  
CTTTTCATGAAGCCCGTCTTCCTTGCTGTGGCATTGGCATGGGCTGGTCTTGTTTATGATCGGCTTCTTTCTTG  
GTGGCATTCCCTGGTATGTTGGAGCTTTTATTGTACTCTTTGTACGGGTCGATTACCGAGAAAAGCCTGGATAT  
GTTGCGTGTGCAATTGCTTCAGTTCTTGCTGTCATTGCTATAACATTTGGTATCACCAACGGAGTTGAGCCCTG  
GTGAAGGAAACATATGAAGAACAGTTTGGTCTGGTCAATACCGATGTCACCCTCCCTCTGTATCGAAAAAAC  
AACTGGTGGGATACTGTAATGAGCTTTTGAAATTGTTATTCTTTCAGTTTATATTTATCAACTTATTGGTTTCCTT  
TACCGTAAATATGTTGGAAACTTCCTGACTTGCCAAAATTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3124 NM\_112684|Arabidopsis thaliana ATHAL3A; FMN binding /  
phosphopantothenoylcysteine decarboxylase (HAL3A) mRNA, complete cds

ATTTGAGTGAACCGGGGATCACAAATCTCCTATTTCTTCCGGTCTCTCAGTCTTTTCCTTCGCCCATCCGTTCCC  
GCTCTTCCCAAATTGCAACCATCTCCATCTCCTTCTCTTTGTCTCTCTTTCTTGTTCCGCTCCATTTCTGTGCGA  
CTTCAAAGGTTCAACAATTGCTTTAACAACCTTCAATTGGAGCTGGGTCTGGGAGCTTCTTTCATAGGGCATG  
GCGTATCCAAAATCTGCTAATGCAGAACGGGAGGTAATGCAAGTTAATAATGTTTCAAGAGGAAACCAAGGATT  
TTACTTGCTGCCAGTGGAAGTGTAGCTTCGATTAAATTTGGGAATCTCTATCATTCTTTTGCTGAATGGGCAGA  
CGTTAGAGCAGTGGCTACTAGGGCCTCTTACACTTCATCGATCGAGCATCTCTTCCTAAAGATGCTGTTCTTT  
ACACCGATGAAGATGAGTGGACTGGTTGGAACAAAATTGGAGACAGTGTTCTTCATATTGAGCTTCGCCGGT  
GGGCCGATATCATGGTTATTGCCCTTTATCTGCAAACACGCTCGGCAAGATTGCTGGTGGATTATGCGACAA  
TCTATTAACCTCGTGTTGTGCGAGCATGGGACTATAACAAGCCACTCTTTGTTGCGCCTGCAATGAATACCTTTA  
TGTGGACCAACCCTTTCACTGAGCGGCATCTCATTGCAATCGATGAGCTTGGGATAACTCTTATACCACCTGTT  
ACGAAGAGGCTGGCTTGTGGGGACTATGGCAATGGTGAATGGCTGAACCTTCCTTAATCTTCTCTACTGTGA  
GACTCTTCTATGAGTCACGAATGCAACAAAGTGCCAAAAATGGTGAGTAGTTAGAACATGAAGACTTTGTCA

>trans\_c\_3125 NM\_001063284|Oryza sativa Japonica Group Os06g0140100 (Os06g0140100)  
mRNA, complete cds

TTCTCCATTTGCTAACCTCGAAGCTCTTCGGCGATTGAGAGATGGCGAAGGCCGCTCCCGATTCACAGAGTA  
ACAGAGCAGCAGTGCAGGCCACCAACGACGATGCATCTGCAAGCAAATATCACGTGTTAGAAAGGGATACA  
TGAAAGACGATTACATACATCTTTGTACGAAAGCCTGTGAAGAGATCTCCAATTATTAACCGAGGCTATTTT  
CCCGGTGGGCTGCGCTGAGGAAGCTCCTCTTTCAATTCCTCAATGTTGGAAGTAATACAGAGGAGCACACGAA  
AAAGCAGATATTGTCGCTTGCAGCTGGATTTGACACCACGTACTTCCAATTGCAGAATGAGGGTAATGCACCA

CATTTATATGTGGAATTGGACTTTAAGGAGGTGACCAGTAAGAAAGCTGCAATAATTGAATCCTGTAGTCAGT  
TGAGAGAAAAAATCAGTGGAACATATCTATATCCCTGGAAAAAGGAGAAATCCATAGTGATCATTACAAGCT  
ACTCCCTGTTGACCTCCGTGATATCAATCAGTTAAACGATGTATTGGTTCTTGCTGGTATGGATCCCAGTTTGC  
CGACATTTATAATTGCAGAATGCGTTTTAATCTACTTGGATCCAGATTCGAGTCAGGCTATTGTTGGTTGGGCA  
TCAAAAGCATTTTCAACAGCAATATTTTTCTTATATGAGCAGATTCATCCGAATGACGCCTTGGCCAGCAAAT  
GATCAGAAATTTAGAGAGTCGAGGCTGTGCTTTGTTGGGTATCAATGCTACACCATCGTTACTTGCAAAGAAG  
AATCTTTTTCTCGATCAAGGATGGCAGACAGCTGCTGCATGGGACATGCTGAAAGTGTATAATAACTTGATCG  
AAGCTC

>trans\_c\_3126 HM122650|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR9)  
mRNA, complete cds

CACCACACCACTTGTCTTTTTGATATTGTTGTTAATTTCCGGTGCGTTTCGTTCTTTTCTCCCTTTTTTCCGATG  
CTCATGCCGATGCCGCCCCCGAGACGCCGTGATGGATGCTGCCGGTGTCACCAAGGAGTTCATGTTGTTCCG  
GAGTCAGAGTCGTGGTTGACCCGATGAGGAAGAGCGTCAGTATGAACAATCTCTCTCAGTATGAACATCCTCT  
TGAAGCTTCTATTGATGATAATAGCCGCAACAGTAAGACTACTGTCTCTGCCGCCGACAGGAAGGAAGATTCC  
GCTGCCGGTTATGCTTCTGCGGATGATGCTGTTCCCAATTCCGGTGGGAATCGCGAGCGTGAACGCAAGCGA  
GGTGTACCGTGGACGGAGGAAGAACAAGCTTTTCTGCTGGGATTACAGAAAGTGGGGAAAGGAGATTG  
GAGAGGAATTTGAGGAATTTTGTTAAGACTCGAACGCCAACTCAGGTTGCTAGCCACGCCCCAGAAATACTTT  
CTACGCCGAAGCAACCTCAATCGTCGCCCGCTAGATCCAGCCTCTTCGATATCACCCTGATACGGTAAAAG  
AGGCTGCTGAGGAAGAACAATCAAGTTCAAGATAATTCCTCCCAATTACAATCCTTGTGCGCCTCCACCA  
CCTGAAACTTGTAACATAAATGTATATCATCCATGATACCAACTTTTCTTTGTCTGTTGCCCTGCAATTATAC  
CTATACCAATTCCAATGGAGACTGATACATCACATGAGTTTAACTTGGAGACTGATACATCATCAATTGGTGCT  
GAAGTTTTGCCACTCAGTGGAACCACACTTGAGTTTAACTTGAATTCGAAATCAACATTAACTCANGAGCTCT  
TT

>trans\_c\_3127 NM\_001052847|Oryza sativa Japonica Group Os02g0219400 (Os02g0219400)  
mRNA, complete cds

AGAAAGGAGAGAACTCATATTCACATCACTTGGACCCTGATGTTGGTGTCTGTAGTTGACCGTTTCACCTAT  
TACACACTAGCCTTCTTTGAGAGATTAAATATGTACGATAATACTTCATTAATCAGTCTTTTCAGTTCATATAAT  
CCAAGTTTGTGATGTGCGACTGCATATTATAGAACTGATCTATACCAACGTAGATTGGAGGAGGTTCTGTAAAC  
GAACTTCTTTGGCTCGGTAATGGAAACAGTTCATACCGATTCTGCTTACAAGATTGTCTCAAGAAAGGACTACA  
ACAGGGGTGAACCTGAATTACATCAAGTGTGCGCAGCACAATGAAAGGACATTGATTCTTCAGATAATCCGGA  
TCATTTTAGTGAACCAAGCACAAGGGATGAATATGGGGCTTTAAGAAGTATATGGAGAAGTTTGCATAATAA  
GATGGAACAAATTGAAGATGCTGATACTTTTGTGAACTATGGGTTGGTCATTATGCTTCCATTCTTAGGGATCT  
CCATGTTGCTATCAAGGTGAAGAAGCTGTCCGTATTTCTTGTGCATCACTTCACTTTGAAATTCAGTTGTTTAT  
ATGTTTGTCTTAGTGTTGCGTCTTGAATATGTTCCAAAACAATTTTAATACTATGATCAAATTGGAGAATATCC  
ATGATCGCCTAAAAAATGCTCTTTTAACAACAGCTGAATCAAGGTTTGGGAAAAGATCTTTATTATCATTTGCA  
AATTTCTTCTAACGAGCTGATGATTTGAAAACAATTTTGAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_3128 AY104575|Zea mays PCO138774 mRNA sequence

TTGAAGCCAGGGGTTTTATCAGTACACGAAGGGAGCGATATCAAAAAGTACTTTGTGAGCAGTGGTTTTGCAT  
TCATCCATGGAACTCATACGCTGACATTATCGCTGGTGAAGCTGCGCCTGGAGATCAAATTGATGCTGCCCA

AGTACACAAGGGTCTCGCCGAATTCACCCAAAAGTTGAACTCTGCCTCAACAGACTTGAAGAAAGCCGAACCC  
CAAATCGGAGTTGACATACACAGTGCTCTGAATTCTGCTCTTACCGGATAGTCTCCCTGGCTCGCAAATCGGCC  
ACCTTTCGGGTTTTATCTATTTACCAATTGTATGTTCAACACTGCCTCATTGACAGTTTGAGGTGTCTTCTTG  
GTGGAAATACCCTCTGGAACACATCATCAATGAGGACGATGATCGTGAAAACAACAATCGAAATACAAGGA  
AGAGGGGAACAAAGAATTCTAATCGACAACACTACGGGAGAAGCCAACGTCTTCCCGATCGAAATTCTCGACTT  
GAACGTGAGTTACATGGGAGAGAAGACGATGGTGGTGAGTATGACGTGTGAAAGAAGAAACGACGCCGTAT  
TGAAAAATTTGTCAAGTGATTGAATCTTTGAAGCTGAAGATAATTACGGCCAATATTACCGTCGTTGCCAATAG  
GCTTCTCAGTACGCTCTTCTTGAGGCAGAGAGAGCAGAAGAAGAGGAACTAAAGATAAAATTAGGGAAAGC  
AATTGCAGCCATTAGTGATCAACAAAATCCTATAAGCTTTTGATAAACCCCATAGGACATGTTCTTTTTGTGGC  
TCACAACCTTGTCAACTAATTAATTTCTAGTACTAGATCTTCTTTTCTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_3129 XM\_002866956|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SEC14 cytosolic factor family  
protein, mRNA

AATGAGTCCTTACCAGCCGGGGGGCGAGAAAAATCGTGGCCTTCTGAGGTTTGTGGTTGCACCCACCGTTCTT  
CACCTGCTTCATTTTTCGAAATGAAGTAACAAAGCATTGAAGCAATGGATTCTCTTAATCACTATTTTTATT  
AAATCCGTCTTTGTTTTTCTGAAGAAGTTTTCACTTCGGTTTCTCATCCCTTTACTTGCTTGATCAGATTATC  
TTGCTGCACATTGTGCTCCGTTGCTGATTGATATGTTTCGTTCAAAAAACATTCTCAAAGTCATAATAACGGTC  
AGGACAACGATTCTACACAAGAAGAAGGGAAGATCAATGAACCTAGAGCTGCTCTAGGGCCTCTGTCTAGTC  
GAAGTTCAAAGTATTGCACCGATGCATGTCTGAGGAGATACTTGATAGCTCGAAACTGGAACGTTGAGAAGT  
CTAGAAAAATGCTTGAAGAGACGCTCAAATGGAGGGCAGCTTACAAGCCCGAAGAAATCCGTTGGGATGAA  
GTAGCATTTGAAGGCGAGACTGGGAAAGTGTCGAGAGCAAATTTTACGATCGTCATGGAAGATCTGTGCTC  
ATAATGAGACCAGGAATGCAGAACACAACCTCCATCAGAAGCTAGTGTGCGGCATTTGGTCTATCTTTAGAGA  
ATGCAATTCTGAACCTTGGTGAGGGTCAGGAACAAATGTGTTGGTTAATAGATTTACCGGATTTACAATGAA  
AACCAATGTCTCCGTCAAAATAGCCGCAGATATTATCAATGTCTTGAGAACCATTACCCCGAGAGACTCGCCT  
TTGCTTTCCTCTACAATCCCCCAAGTTTTTTCAAGCCTTCTGGAAGGCTATAAAGTACTTCTTAGATCCAAGAC  
ATC

>trans\_c\_3130 M64737|Ricinus communis ATP:pyruvate phosphotransferase (PK-p-beta) mRNA,  
complete cds

TGATCGAATATCCTACACCCACCAGAGCTGAAGTGGCTGATGTTTCTGAGGCGGTTAGGCAGTGATCAGATGC  
TCTAATGCTGTCTGGTGAGTCCGCCATGGGCCAGTACCCTGACAAGGCATTGGCTGTTTTGAGAAGTGTCAGT  
CTAAGAATTGAAAAGTGGTGGAGGGATGAGAAACGCCATGAACCTATGGAACCTCCAGAAGTTGGATCTTCA  
TTCTCAGATAGTATCTTAGAAGAGACCTGCAATTCGGCTGCTAAAATGGCCAATAATTTGGAGGTAGATGCCA  
TTTTCGTCTACACAACGTCAGGCCACATGGCATCTCTTCTGTCCCGTTGTCGACCTGATTGCCCAATCTTTGCTT  
TACTTCCACAACATCTGTTAGGAGACGTCTTAACCTGCAATGGGGATTGATACCCTTCAGACTGAGCTTCTCC  
GACGACATGGAAAACAACCTCAACAAAACATTTTTGCTGCTTAAAGCCAGAACTTGATCAAATCAGGTGACC  
TTGTAATTGCTGTCTCAGACATGTTGCAATCTATCCAAGTTATGAATGTTCCGTAAGGAAGAAGGGGCTCGGT  
ATGGTTCCTGCTGATGTTCCATTCTTTAAATTATTTAACATAATCAAAGTTTTCTGGATCTGCTATTTAGTTGCT  
AGGAAAATCGATGGAAACAAGCTTCAGGTTTTTAGTTGGTTGAACTCTGATTGCTTGCTTTATTTCTTTCTTA  
TTATGTAACATTTTAGTGGCTATCAGATAAGTGTTCTATGAACAACTTGGTTTACGAGCTATTTATGTAGTTTT  
TGTGATAACAATAAGTAATATTGTGTATTCTGGGCATTCTGTTGAAAATTGAAGCATCTGGGAGGTGCGCT

>trans\_c\_3131 Z73940|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB7A

GAAGTCATTTGACACACTTGACAATTGGCACGATGAGTTTCTCAGACAGGCAAACCCACCAGACCCTAGGACG  
TTTCCATTTATATTGCTTGAAATAAGATCGACATTGATGGTGGAAACAGTAGAGTGGTCTCTGAGAAGAAAG  
CTAGGGAATGGTGTGCTTCAAAGAAAAATATTCCTTACTTCGAGACATCAGCTAAAGAGGACTACAATGTCGA  
TGCTGCTTTTTTATGCATTGCCAAGACTGCATTAGCCAATGAACATGAGCAGGATATATATTTCCAAGGAATCC  
CTGAAACCGTCGTGGAGACTGAGCAACGAGGTGGCTGTGCATGCTGAACCCAGAAAGTGAGACTCGGGGGC  
TACAGAACTCATCCTTTTGGTTCCAATTCTTATACATTTTTGCTGGCTTTGTCATCCATAACTAATCTTTCATTTCA  
GACCTTTTATTCCATTACCTAACCGCCTAGACTTGAATTCCTCGTCTTCCTTTTCTTGAGGTAAAGAAAGTTTGTGG  
GATGTCATGAGTCTGTAGGATCCATTATTTCAAGGATTCTCACCATCACAGTCTTCCTGAGTCAATAGTTTCTGC  
TTCTGCCCATCTGAATTTCTTCTTATGTTTCAGGACCTTCCTTATTATGTTTTTTTTTCTTTATTTATTTTGGCGG  
CTTCCTGTTTGATTGCAACTCATTTTTGTGGAAGTGAAGAAATTGGTTCTTTTTCTTTAACCTTGATT  
ATTGTATAATACCATTATGTAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3132 XM\_002305006|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

GGACTAAAATTGAGAGTAGTTTGGACGATTAGCTCACTAATCGCGGCCTCGGCAAGACATTACTTACTGCAGC  
CGATAATTGCAGAGCATAAACTCTGGATAATTTAGTTCTAACTGATGCAGATGGACAGGGGATGTTGTGTAT  
GAACAAGGATCAACTTGAGGAGTTGAGAGTGAAGCCCTTGTGAGCTTCAACTGCGTCAAAGAGAACGCTTGT  
TCCAGCTCTGAATATGAGGCTTTGGTATGCGCCTCACTTGAATTACCTGGTGGGATTATTCTGAAAGGGGCA  
ACTCTTGTTGCAATTCGTCCAAGCGAGCAGTCAATGACAAAGAAAGAAGTTTCTGATGGGTGATGGCTTTCAA  
ACGCTTTCGAGGAACCTTATGGAACCGCAGCAAAGATACTGGTGAAGAGGAGAACTTACTGTCTTGAGATGA  
ATTCTTTCTGATAACTTCAACTGGATCTGAGCACGGAATGGTGGAGAGATAAAGGGAAGATTGACTCTGGCG  
GAAATACCTTATTTTCATGCATCGCCAATCTTCATGTATTATGAGGTGAAAGCCTAACCCACAATCAAATTGCA  
GCATGCTCAGCTTTCATGGTTGATTTTAGATTGAGGAACGGGTGACTACTGCTTAAACAATTGCGATAATTGA  
AATTCTTCCTCTACTTGGCCTTTGTTTGATAATACTACTTGCAGAAAGTGCAAAAAATACAAATAGAGAGATGTT  
GTTGTAAGGCCCTGTTGTAGTGTGTTTCTTATATGTGAATATGATCTAGTTTTATCAAGTATTTGCATCCT  
AATGAAATGATTGCACCACTTAATGTTATGGATACTGAATGCATATTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_3133 NM\_129088|Arabidopsis thaliana ubiquitin family protein (AT2G35360) mRNA,  
complete cds

ATGAGAGAAGAAGAAAGTTCCCCTCTCGGTGAAGACGAAGACGAAGACGAAGACGAAGACGAAGACGAAG  
ACGAAGACGAAGACGTGGCGAAATCTTTGGCTGTGTCATGGCGGAGATCGTTGAGGATTCCAATTTCAATCG  
GAACATCAGTAATCGCAATCCTCCACAAGACACAGTGAAGTCATTGTTGCAACCATCGGCCCAACGCGCCCC  
TCTCGCCTTCTACCCCTTCCACGATCAAGGTGTGCGATTTGCGAAAGCTGATTGCAGAGAGTAGCCGATTACC  
GATTGGGAATTTGAAGCTTATTTACGGGGAAAAATTTGGATGACTGTAAAAATGAAGATGATGTATATGTG  
CGGCTCAATCATGGCGATTCTTACTGTTGCTGTGAAGCCAAAGCCTCCAGCAGAACATCTTCGTGATGAAT  
TTGATGAAGATGAGGATGACCCGAAGTTTAGGCTTCCAGAGTCTTCAAGTCGTTTGAAGAAGAAAGTCTACAC  
TTTTCTACGTGAGAAGTTGAAGTTTCCTGATATCCTTTGATGGTGGTTTTCTCTCAGTCTGAAGGGTTGGG  
CTGCTATTCTCCTCTGTTTATCATGGCACCTGTTGCCCATAGCTGGGACCTTGGACCTTATATATACTTGAA  
CTGGTTTTTGCATCATTCTACTAAATCTTGACATCGACGATCTGGGGAAATGAGTGCATATTCCATCTTCAAT  
GAAGGTTTCAGAGAGCTTCCAGGGACACTGAATGCCGATCGGCTCGATAGAGATGTTGCGCTGGGTGAGCTC  
TGATCACCTTAATATTTTATGTACTTGAACAGACAGAAGATTCCTGGAGAAGTTACTGTTGTGTTTTCTTCTC  
ATGTGTA

>trans\_c\_3134 Z73961|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAC1

AAGCAAAGAGGATGAGTTGTGCTGCTTGATTGTAGGGTTGTGTTAAGGACAATGTGAAAATATAACTCATATA  
GTGATAGTTAGGGGCTAAATGTGATGAGTAGCTTACTATTAGGTCTTCATTCTAACCGGTTGGGGTACGCCTA  
ATTTTGCATCATAATATAGAACAAGCCTTCTGTGCCTTTTCGTTCTTTTCGTTCTTCCGCTTTGGAGGTTGAAGA  
ACCACTTTGATTGCTGCGTCGAAAACGCTTCACATTTTCTGTGTTTTCGAACTGCATTTCGATGTAACTGG  
GGCACCATGAGTTTTCTTAGTTCTCTCCCTGGGCAGTGGTAATTGGCACGATCCCTGGGTGTTTCGTTTCAGGT  
ACTGTTTATCTTCTCGAAGATCAAGCTTAGTCCCGACGAGAATAACCGGTACACCAGGAGCATAATGCCTTAAT  
TCAGGAATCCATTTTTTGGCCACATTTTCGTAGCTAGCCCTGCTTATGAGAGAGAATGCTAACAAAAATACATC  
TGCTCCACGATAGCTCAAAGGTCGCAGTCTATTGTAATCTTCTGACCAGCAGTATCCACAAGCCTAGGTTGA  
CTGTACTGCCATCCACAACACTACGTTTCGCGCTAAAATTGTCGAAAACAGTTGGCACATAATCCGTGGGAAAAGT  
GTTGCTGGTGTAGGAGATAAGCATACAAGTTTTCCCAACAGCACCATCACCAACCGTAACACACTTAATAAAC  
CTCGAAACACTCATTTCTTCTCTCAGACCTTCGTTCAAAAATCTCCCAATGCAGAATCACCAAGAGAAAAAGA  
GAAAATTGTGGAGTTGACCCACAAATCTAGGCACATTTACAAAGGGTCACAGAGAAATTGGAAGAGAGAGG  
GAG

>trans\_c\_3135 NR\_022347|Arabidopsis thaliana (AT1G60545) otherRNA

AGTATGATGAGTTTCCAATGATGAAAAGATGCATTTCGACAGCCAGGATGGTTGAAATGATCAATCAGTTCTC  
TAATGAGCTTCACAAGTGCATCGGAAGTACGACACTGCCAATTTCTAATAGAAGAGATCAAAGTCTTGGAG  
GAATCCAGAGGCATTGGACTTCCAATTTTCTCCCCGAGCCGCTTCTCTCGATTCTGCAGAGGAAAAGTGAA  
CTTAATATCAAATTTACCTGTTGAGTTTGTGATGAAAGTTTGGGATTACATTCAGGTCATTGTCCTTGCCGTGTT  
GATGCACCATTCTGAACACTATCCACAGCTCCAGCAGCCATCAGACGAGCAGGGAAAAGTGTCGTCGAAAG  
GATGAAAGATCGATCGATCAGTTGGATAACAGAGGTTGTAGAAATGGAGAAGCTCACCGACTACACCTGTGA  
TGCAGCATACACAACAGAATGGAACAAGCTCATGACCCAGCAACAGACATTCTTAAATCACGTGCTGGTAAGT  
GATTACCGCCAGCTACTGTGTTCCCTCGAGGGGTTTGGAAAAATCGAAGTTGGGAATTTGTGGGAGCATCCAC  
ACGTTCTTCAACAGGCTTTTATCTGAAGATGAGGATGACAGCATACTGGAAGATTGTATTGAGGAGAATGGT  
GGACAGCACGGCACTGTACTTGCAGTACGGTGTGCAAAATCTGGTGAACAAGGAAATCGAGAAGGAGACAA  
TCGGGGAGCTGATGAGTCCGTCTGGGGGCGGGATCGAGAGGATGTTGGAGGAGTCACCATCGTTGTCAGTG  
AAAAGGGAGATGCATGAAAAGAGTATCAAGTTACTAACGGAATCCAAGGATATTGTTGGGAGCATTGTGGAT  
TCTGTTTCTGTCT

>trans\_c\_3136 AY389670|Hyacinthus orientalis HUELLENLOS-like protein mRNA, complete cds

TCCTCTTTTCTCCCTGGGCCGGTTTCGTAACATAAGATTTTGGCGACCAAAGTTCAGAAATGGCTGCCGCTTTTG  
CTTCAAAGTTTTCCGCGTCAGCCGTTTCATTGTTGGGTGGACTTGGAACAATTTGTCTACTTCATTGACCACAT  
CAAATGAGACAATATGCAGCAGTTTCATCTCTCAGTTGCAGCAACAAAGAACTTTCATACAGATGAGGACTGT  
GCTAAAAGTAGTGGACAATTCGGGGGCAAAAAAGTGATGTGCATACAATCGTTGAAGGGGAAGAAAGGAG  
CAAGACTAGGAGACACAATCGTAGCATCAGTGAAAGAAGCCCATCCTAATGGAAAAGTGAAGAAAGGAAAA  
GTTGTATATGGTGTAGTTGTGCGAGCTGCAATGCAAAAAGGCCGCTGTGATGGGAGTGAGGTCAAGTTTGTAT  
GATAATGCTGTAGTACTTGTAGACAAGCAAGGCCAGCCTATTGGGACGAGAGTGTGTTGGTCCAGTTCCTCACG  
AACTCAGGAAGAAAAAGCACGGGAAGATTCTTACTTTAGCAGAGCACATCGCTTGAAATCAATAATCAAGTCA  
GAGCCAAGGATAGAAGGTTTTGTTTGTAACTTCTTAATTATGTTCCCAAAAGCACACCTTAACCGGAAGAA  
AGCAAGTGAATCTGCTAAAACCATCTGATAAATTTGTCTTTGGGAAACGATAGGGAAGTTCCTGCAGATAATT  
CGTCTTCTATTTGAATTTAAAAAACTAGTACGTGGCTGGTCAGTTTTTCGAACACCGGTGCTTAAACGTGGTT  
TGAAAGTGTTTCATAGAATGTCTTTGTCTATGCAAAATATTTATGCAGAAGGCAACATTTATACATTGTACAAT  
TTTAACTC

>trans\_c\_3137 XM\_002881863|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata immunophilin, mRNA

CCGTTTCCCAACGGTACCAACACCTTGATCTCAAACCTTCCATGGCGTCTTCACCCTCCTCAACGTTGCTCCCGCT  
CGGTTTCAGCTTCTGGAATACACCAAGGAATTTCCAGTGATAAAATACGATCTCTTGTCGTGCGCTGCATGAAT  
GCCAATATCAGTGCGAAAGAATGGAGGATGAAAGAGTACGCTAAGGAATTCAATTTGACTGGAAGAAGAGA  
GATGATTGGTTTAATTTGTGGAATGTCAAGTCTCGTTATAGATGCTCTAGATGCCAAGGCAGCTGGTTTGCCTC  
CAGAGGACAAGCCAAGATTATGTGACGATGCCTGCGAGAAAGAACTTGAAAATGTTCTATGGTCACGACTG  
AGTCTGGTTTGCAGTACAAGGACATCAAAGTTGGTGGGGTCCCAGTCCTCCTATTGGATTTAGGTAGCTGC  
AAATTATGTTGCAATGGTTCCATCTGGACAAATCTTGACAGTTCACTTGAGAAGAATCAGCTTTATATCTTTG  
AGTTGGATCTGGTCAAGTAATCAAAGGTCTTGATGAAGGGATTTAAGCATGAAAGTCGGAGGAAAGCGTCG  
ACTTTACATTCCCGGACCTTTGGCATTCCCAAAGGGCTCACATCAGCTCCAGGAAGGCCAAGGGTGGCTCCA  
AATAGCCCTGTGGTATTTGATGTCAGTCTGAATACATACCTGGCCTTGAAGATGAGGAGTGAGTAGCTATAC  
AATAATCTCTTTAACTCTTCATTCTTTCTTTGGTTTTGCACAGAAAACCAAAGGAAAAGCAAAGTAGAAAT  
TTGTATATGATGAGGAAACACTCGCTGCTATGCTTCAATTTCCCTGCCTTGTGTGAGTAGAATTTGGGTGG  
GGGA

>trans\_c\_3138 NM\_001059570|Oryza sativa Japonica Group Os04g0467100 (Os04g0467100)  
mRNA, complete cds

TTCCGAGTCTTTAGATAAAATAGGTGTGCAGATATCTGGTGAAAAAGCAAATTTGGAAGACCCTTCTTCAGCTT  
CCAAATCTGTTGATTCTTGCAACGACACTCCTGCTCTGGGCTCTGCAGCAGAACCACCCAGTCATAACATCGCA  
GCGCATCCTTCAGGTTATAATGATGAATTTGAGAATGGAAGTATTGCACTTACTCTCAACTCGATCTCTCCAGT  
GGCGAATGGTGGAGAAGAATCAGGAGTGTTGCGGAAGAAGTGATTCTGTAATTGGAAGTCAAGTTTCAAC  
CAATCTGGAATATAGAACTTCAGATAGTAGACTACTTTGAGTCAAAACATGAACGACATTGGCGAGTCTAGT  
TTCTCTGCCGTAGATCCACTAGCTAGTCTTGTTACTTACTCAGGGCCAGTAGCCTATTCTGGAAGCATCTCGCTT  
CGATCAGAAAGTAGCACAACAAGCACACGTTCTTTGCCTTCCCTATATTACAGACCGAATGGAATAGTAGCC  
CGGTTAAAATGGTAAAAGCTGAACGGAGGCATTACCGAAAGTATCGAGGTTGGAGGGAGGGACTTCTATGCT  
GCAAATTCTGACTGCTTCCGTGCTATCTCTAGAGTTAGATTCTGTTTGTGCATCATCCAAATTTATTTTCACACA  
CATGTAAGTAGATGTATTATTTACTGGAGGTTATGCATTTCAATCATAGTCATTCTTTACAGTTTGGCCTATTAT  
GTGAAATTTAATGTATTGGTAATACTTCATATCTTTCTTTCTCTGGAAAATTTCTCCAGTAGACCATATTTCTCC  
ATTATGCTTGTAACCATGGCTCTTTGATTTATATAAGGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3139 AY496128|Capsicum annuum 60S ribosomal protein L12 mRNA, complete cds

TCCGTCGCCTCTGAACTCAGAACTTCTATCCAAGTAATCGCGTTATTCAATTATGCCGCCCAAGCTCGATCCTTC  
CCAGGTCGTCGAGGTTTTCTGCCGAGTCACCGGAGGTGAGGTCGGAGCTGCCAGTTCTCTCGCTCCCAAAATC  
GGTCTCTAGGTCTCTCCCTAAGAAGATCGGAGAAGACATTGCCAAGGAGACTGCCAAGGAATGGAAGGGT  
CTCAGAGTTACCGTCAAGCTTACTGTGCAGAACCGTCAAGCCAAGGTCTCCGTGGTTCCCTCTGCTGCTGCTTT  
GGTCATCAAGGCTCTCAAAGAGCCCGAACGCGACCGCAAGAAGACCAAGAACATCAAGCACAATGGTAATAT  
CTCGCTTGACGATGTTATTGAGATTGCTAGGGTTATGCGCCCCAGGTCTATGGCTAAGGATCTCAGTGGATCC  
GTTAAGGAGATTCTCGGTACTTGCGTTTCTGTTGGGTGTACGGTCGATGGTAAGGACCCGAAGGATTTGCAGC  
AGGAAATTAAGTATGGGGATGTTGAAATTCCTCAGGATTGAGAGTGATTTTTTTTTTTTTGTTTTTCGCATTTTG  
AACTCTTACTTTGTAGTTTCAGTTTGGAGTTTAAAGATGTTTCTTTTATTGTCTTGAAATGACTATATCTCCG  
GATATAAGGATTTATTTAATGTGGAAAAGCTTGCTTCATTTTCGGAGATGGAAGCATTGTGGTTCCGTTTTGAAC  
TCAAGTTTTAGATTTTTGGTTTCGATTCATATCGTTGCATTTAGGTTGTATTATTGAGAATAGTCCTTTTATGAT  
TATTCCTTACTTACATTACACTGAATGCAGGGCATACTTTTTCTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3140 AJ555410|Arabidopsis thaliana partial mRNA for SOL1 protein, splice variant A3B1

>trans\_c\_3141 NM\_179581|Arabidopsis thaliana phosphoribulokinase/uridine kinase-related (AT1G80380) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3142 DQ445243|Hordeum vulgare subsp. vulgare retrotransposon BARE\_N15C-1, partial sequence; transposon Balduin\_N15C-1, retrotransposons Sukkula\_N15C-1 and TAR\_N15C-1, complete sequence; and CBF14 (CBF14) gene, complete cds

AAATATTTCAAACTACTAAAAATCTAACCATAACAATAAGATCGATTGATAAAAAATTAAGAATTTGGGGGCAC  
AGAACAAGTTAAAAGTGTGGCAGTGTTTCATGTCCCAATGTCTAACACATTGGTTTCGAGGTAATATAGCAACAA  
AGAAGTTAACATATAATAAAGTTCGGGTAGTTTTTGTAGTTAGCCAAGAAAAATGGAACAACCTCAAAATC  
TAATGTCATAAACATCAATAAATTTATTTGCTGTAAAACTTAAACATAAAGAAGCGAGAATCTCTATACTACTG  
CAATGGAAGAAGGGAAACAAAAAGGAAAGAACTAGAAAGCAGTTCATAAAAGAAAGATGAATGGAAGCAT  
ATGAGCTGCAAAGTAGGCCATCTTACACAAACGATAAACTCAGAAGAAATATCCACGACTATCTTAAGACCA  
TTCCTACATCCTCTCATATCCTACACAGTTCAGTCACAGGAATCATGACTTGTTAAAGAAGATGATCTGTCTAAA  
CAATCCGAAAACAAAATCTAACTTAACTCCAACAAACCTTACGGACAAGCACACTAAACCACAGATAAAAAAC  
AGAAAGATCGGAAGAAAGAAGAAAAACCAAAAGAAGTAGAGTTTAAAAATACAAGCCTGCGTAGCCATCAT  
CGCCGAGTCAAATTGAACAGAGGCTCCAGTAACAGGCAGTCGTCATTGCTGGAACAAAAGAAAGAGAGAAAT  
GGGACGGACTAAGTACCAAGAACTCCCTGTAGGTATCTCTGTTAGCCATGGCAGAGCCTCCAAAGCAGCCTT  
GGCAGAAAAGGGAGGGTGGCTCCGCCATTTTTGAGAGGAAGAGAAAGGGAATTCCGGGTACTAGCCATGGA  
GCCGCCATCCT

>trans\_c\_3143 GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete sequence

ACCTCAAATCAATTCTCTTTCTCTTAATCAATCCTCCAATGGCCGCAATTCACCGCTTCTTACTTCCGCTTGCCCT  
AATTTCTCTTCTCCTTTTCTCTGAATCTCTCGCAGCCATCTCCTCTACCGATCATGGCCAGAATTCTAATCGGCGA  
GGGGACAAGGGTCCGACACCTCCTTGCCGGAAAGATCATTAGTAAAAGAGGAGTTCGGTCCGCGCTAACT  
GCAGGTCGTTGACTTCGTCTGTCGTCCGCCCAAATGTCGTCTGTTCTTTAATGTCGGCTCTTGATTTGTTTC  
AACATAGCGTTTGTGTTTGCGATGTTCTTGTAATTTTTGACTCTTATACGATGCTCCATTCAATTCATTTAATTT  
TTGTTACACAAACTTAAAGCTCGTTGGGATCAAATTGCAAAAACAATCGATCGTGTTTCATGCAAATTGTTTGT  
TGATTTGAGCCGTTCAATTTTATATATAGTATTAATAGGTCGATTTGATTTAGCATTAGATTCACAAATCAAAAA  
CCAACTGCACCAAAAAGAATTCATATCCATGGCTGATCTTATATGGTTATGAATGGATTATACAAATTTGAACG  
AAAAAGAAAAAGCTTCAAATTCAAACCTTCTAATATTAGTCTCTTCTTTTATGTTTCTCCTTCTCTTCTTCT  
TTCAATGGATTTCCATTCCCGTTCTCATTCCTCATAAATTCATATCCATGGCTGATCCTAAACCCCTCCATGTT  
CTCTTAATAATGGCGCCTCTTCTTCTTCTTCTGTCCTCACAACCTCAACTCGATCTTCGCTCAACATTCACCAACTC  
CTCCAATCTTCCAACAAACAAATCACAAAAACGCCTCCCTTCCTCGATCCACAT

>trans\_c\_3144 NM\_179582|Arabidopsis thaliana TPR1 (TOPLESS-RELATED 1) (TPR1) mRNA, complete cds

AGGTGCCTCTGTTGTCACCATGTCTGGAGTGGCTGGGGATTCCCGAAGTTTGGGCGATGTGAAACCTAGAATT  
CCTGAAGATTCGAATGACAAGTCAAAGATTTGGAAGCTCACCGAAATTAACGAACCATCTCAATGTAGATCCT  
TGAGGCTGCCTGAGAATGTAAGAGTAAACAAGATATCTAGGTTGATTTACACAAATTCTGGAAGTGCAATCTT  
GGCTTTGGCATCAAATGCAATTCATCTGCTATGGAAATGGACGCGAAGTGAACGTAATTCAACTGGAAAGGC  
AACTGCAAATGTTTTGCCGCAATTGTGGCAACCATCGAGTGGCATTCTAATGACCAATGATGTTGCTGACACTA  
GTTCTGAGGAGGCTGTGCCCTGCTTTGCTTTATCCAAAACGATTCTTACGTCATGTCAGCTTCTGGTGGAAG  
ATTTCCCTCTTTAATATGATGACATTTAAGACGATGACAACCTTTATGCCACCACCTCCTGCTGCCACATTCCTT  
GCCTTTACCCACAAGATAACAATATAATCGCCATTGGGATGGATGACTCCACAATTCAAATTTATAATGTCCG  
CGTGGATGAGGTAAAGAGCAAACCTAAAGGCCACTCTAAAAGAATAACTGGCTTGGCCTTCTCTCACTTACTG  
AACGTGCTAGTTTCATCTGGAGCTGATGCACAGCTTTGCGTGTGGAGCTCTGATGTGGGAGAAGCAAAAACA  
AGATTCTTGCAACTTCCAAGTGGGAGACCACCATCCTCANCATCCGATACTCGAGTACAGTTTCATCAGGACCA  
GGTTCACTTTCTGGTCGTGCACGAGACGCAGATTGCAATATACGAGACTACAAAACCTTGAGTGTGTAAAGCAG  
TGGA

>trans\_c\_3145 NM\_101841|Arabidopsis thaliana zinc finger (CCCH-type) family protein (AT1G19860) mRNA, complete cds

AAGAGAAACAAAGCCAAAGGGAAATGTTGAGGCTATTAGCTGGAAAAAGCCTGAACCAAAGGATCTAGGGT  
TTTCTTCGCTTCGATCTCTCTGTCTTCTTTAACTTACATGCAAATTGAAATCATCTTTCTGCAATTCCACCTTGCA  
CAGTTCCTAGACACGTTTCGGTTTTGAAATGATAACAAACTTGTTTTAACTTTTGTCAAAAAACGATGCTGG  
ATTTGAAGTTATAGTACTAGGGGTTTTCTTCTGATCGGAATCCCTTTCGACTCTTAATCGTGAAAGAACTTT  
TGAAAAACAAGTGAGAGCCGTAAAATATGCGGGGATTGCACAAAGGGAAAAGGGTTTCATGGGCGTCAGATC  
TTAATCTTCGTCAGGTTAGGTTGTTTTCTGAGGATTGTCCTTCCCAAGTGGGATTGGGTGCTCAAGATCAC  
CTTCAAGCAAAGGCATCGTGGCTCTTGCAATCAACTGGTTCCGGTTTGGGTTCGATGACACTTTGCCCTCTGG  
ATTTGAAGTAGCTCATCCAGAGAATCAGTTGCAGATAAAGCTCTCACAAATTCCTGTAAATCAATGGAGATGT  
CCACCTAAGAAAAGCCAAGAGGTAGATGTTGAAAATCAGAGAGAGATGAGAGTACTTGAAGCGGTTTATCCTC  
GGGCATCTGCAATTCCTCCTAAGTTGATTACTTCTTTGCACTTTGTAATTCTGTTTTGGCATTGGCTTTTTTGT



ATTCATCATACTGAAAAACCATTTGGTTTGCATCCGTACAGCCCTTCTGTGGTACCTGATTCAGAACGTGCCAG  
TATTGATGACAGTCGGACACCTCTGATTCCCATTACTCCTGTTGAAAATGAAAGATGGAGCAACGGAGTCTTC

>trans\_c\_3146 Novel Gene

GATCCGAAGCAAAAACAAAATCCTCTTCTCATTTTTCGGAGGGCTCAGAGCTCACTCTCCACCATTCAAATGCC  
TCTGACCATAACCAATGGCGGTGCCACCGCCGGCACCCTGGGGGAATTCTCTACAGAACCTTCACAAGAACT  
CCTCCTTCTAACTATTTCTTTTTCCGCCGCAACGCACTCTTTCATCCCTCAAAAGAAGCCCGCACCTCCATGTCG  
TTCAAGCCAAGAAATCCTCCTTCCGAACAGGGCGATTGACAGTAAGAACCGGAGGAGCTCGACGACGATCA  
AGGAACAGGATAAAGAAGAAGAAGAAGAAACGAAATCGGACGGCTGGGATTGAAATGGGCAGTCCCATCGTT  
GAAAATGCCGGCGTAGTGTTTGATGTGGATGAGAATTTGCCGGAGTTGCCTGGGCTTCAGCCAGATTTCTGG  
GAGGGTCCGCAGTGGGATGCCCTAGGCTTCTCCTAGAGTATTTGTGGGCTTTTGAATCGTTTTCGCGCTTAT  
TGCTTGTTGGGATTGCTGTCAACCATATAATGAAGGAGCAACTGATTTCAAGGAGACACCTGCATATAAAGAA  
TCAGTTCAAAGTAGAGAGATTTTAGAACAGAGGCATCAAACCCAGATGTGTTTGAATCCAATCCAAGTGGG  
TGGCTCCAAGTTTGGAATGATGTTGATACTTAGATATCAAAAACAGATTACACATCTTGGATACATTATCATCC  
TCCAAGCAGTTAAAGAAGTGAAAAAGAAAACAAAGGATACTGTGTGAATTTGTAATGGCATATTTATCTAGG  
TATGTTATGACAACTTTATTCTATTGTATCTAGTTAAGATTTTGATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_3147 AY106431|Zea mays PCO116332 mRNA sequence

CTGAAGGAGGCGATCGTGCCCTACACAGGCCTCTCTCCTTCCACCTTCTTCACTGTGTTGGCTCTTGGATTTGC  
CATTTACTATCTCATTTCCAGTTTCTTCGCTCCCTCCGCCGATTACGGAACCCACGCTAGGGACTTGGAGCAAAT  
CCATCCTCTCCCTCCACCTGTTCAAAGGGGTGAAATTTCTGAGGATGACTTGAAACAATACGATGGCACCGATT  
CCAAGAAACCCCTTCTCATGGCTATCAAGGGCCAGATCTACGATGTTTCTCAGAGCAGGATGTTCTATGGACC  
CGGGGGGGCCCTATGCCCTTTTTGCTGGAAAGGATGCCAGCAGAGCTCTTGCAAAAATGTCATTTGAAGAGAA  
AGATCTGACTGGGGATACCTCTGGTCTCGGTCCATCCGAACCTTGAAATGTTGCAGGATTGGGAATACAAATTC  
ATGAGTAAATATGTTAAAGTCGGGACAGTCAAGAAGACAGTCGCTGAAGGTGATGCTGCAGCTGGTGAGCCT  
GCAGAGTCAAGCTCTGCTGAAGTTAGCAAGCCTGTGCAAGAAAGTCACTCGGAACCTCGGGATGATAAAGCT  
GAGGAAGCCCCTGCTGCTGCAATGTGATTAATATTCTTCGGACTGCAAAATGCCCCTTCTGGCGGATATAGG  
AAATGAGAACAATGTACGTGTGCTCATGTTTTAGTAATCTTGTTTCATAGATAAGTGAATCTAGTTGTGTAGG  
GTGATGATACTACAGTGGAATTGAGGCTTGAGTTTATGTTTACTATTGTTCAATAAACGTCGGACAATAAGATT  
GTAGTCTTTGAATTTGAAAATGGGACTGAGGCTCTCTTTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_3148 NM\_120467|Arabidopsis thaliana MLS (MALATE SYNTHASE); malate synthase (MLS)  
mRNA, complete cds

TGAAGGGGGGTTACCGGGGTTTGATCCGGCGACTAAGTATATAAGAGATTCTGAGTGGACATGTGCCCTGT  
CCCTCCGGCAGTTGCTGACCGGAGAGTGGAGATCACCGGACCTGTGGAGCGGAAGATGATCATCAACGCACT  
CAATTCTGGAGCTAAAGTTTTCATGGCGGACTTTGAAGATGCACTGTCACCAAATTGGGAGAATCTGATGAGG  
GGGCAAATTAATCTTAAGGATGCAGTGGATGGGACTATAAGTTTCCATGACAGAGCTAGAAACAGGGTTTAT  
AAGCTGAATGATCAGACAGCAAAGCTCTTTGTCCGCCCTCGAGGTTGGCATTGTCAGAGGCTCATATCTTCAT  
TGACGGCGAGCCTGCAACCGGCTGTCTTGTTGATTTTGGGCTCTATTTTTCCACAACCATGCTAATTTTCGAC  
GCTCTCAAGGTCAAGGTTATGGCCCTTTCTTTACCTTCCAAAATGGAGCACTCCAGGGAAGCTAAAATATGG  
AACAGTGTATTTGAGAGGGCAGAAAAGATGGCAGGGATAGAGAGGGGCAGCATCAGGGCCACCGTACTAAT  
TGAAACACTTCCAGCAGTGTTCAAATGAATGAAATACTTTATGAGCTGAGGGATCACTCAGTGGGATTGAAC

TGTGGTAGATGGGATTACATATTCAGCTATGTCAAGACCTTCCAGGCGCACCCAGATCGTCTATTACCCGATCG  
GGTCCTAGTCGGTATGACCCAACATTTTCATGAGGAGCTATTCTGATCTTCTCATCAGGACTTGTACAGGCGTG  
GTGTGCATGCCATGGGAGGCATGGCTGCTCAAATTCGATTAGAGACGATCCGAAGGCAAATGAGGTAGCAC  
TTGAGCTAG

>trans\_c\_3149 EU737108|Eucalyptus grandis UDP-D-glucuronate carboxy-lyase (UXS1) mRNA,  
complete cds

AATCCAATCCTAACAAATTTAAACCCACTCCAGATTTTGATTTTCCTAACCTAAGTGTGTTGAAGTGAAGATCTGA  
GGTAATGGCTAAAGAGGGTTCCAATGGAAATTCATATTTCTCAAAGCCACCACCGACTCCATCTCCTTTGA  
GAAGTGCCAAATTTTTTCAGGCAAATATGAGAATTTTGGTGACTGGAGGAGCTGGGTTCATTGGCTCACACCT  
GGTCGACAAATTGATGGAAAATGAGAAGAATGAGGTTATTGTTGCTGATAACTACTTCACCGGATCGAAGGA  
TAACTTGAAAAAGTGGATTGGCCACCCGAGATTTGAGCTTATTCGACATGATGTCACCTGAGCCGTTGTTGATT  
GAAGTTGACCAAATATACCATCTTGCTTGCCCGGCATCTCCAATTTCTACAAGTACAACCCGGTCAAGACTAT  
TAAGACGAATGTAATCGGCACACTGAACATGCTGGGACTTGCCAAGCGGGTTGGAGCAAGGATTTTGCTTAC  
CTCCACATCCGAGGTATACGGAGATCCTCTCATTACCCTCAAGACGAAAGCTACTGGGGAAATGTCAACCTT  
ATTGGTGTGAGAAGTTGCTATGATGAGGGCAAGCGAGTGGCCGAACTCTGATGTTTGACTACCACAGGCAA  
CATGGGATCGAGATAAGGATTGCAAGGATTTTAAACACCTATGGACCCGAATGAATATAGATGACGGCCGT  
GTCGTCAGCAACTTCATTGCTCAAGCAATCCGTAGCGAGCCTTTGACAGTTCAAGCACCCGGAACACAGACTA  
GAAGTTTCTGTTATGTCTCTGACATGGTTGACGGCCTCATTTGACTAATGGGAGGGTGATAACACTGGACCCG  
AGCACATT

>trans\_c\_3150 XM\_002326107|Populus trichocarpa SAUR family protein (SAUR46), mRNA

AGAGAGGAGAGTGGTTTTGTAAACGCTCATTCCTCTCTTCCACATAAATATCCATTCTCTTCTCTCTCTCTC  
GGAATTTTCTCCTTCTGCTTTTTCCCCGTTTCATTCATCTTCTCCTTCCAATGCCTTTTCTTCTCACCTTTTACC  
TAAATGCTCTTCTTCTCGCCGACACTGTGAATTCTGTGCTGGGGTTCTGTTGAATTGTGGTGAACGTTTAGAA  
ATGGATGAAAATGGTGGGATCAAGATGGGAATCCGCCAGATTGTGAGGCTGAAAGAGACTCTCCAACACTG  
GCAAGGGGTACAGTATGCCCCGAAATCCAAAGCAGCAGCCATGAAAATGGAAGCCAAAATCAAAATCAAAA  
CCATGGGATCCTTTCACCGGCAATCAACAAAAGGCTGACGAATGTGTTGTGTTGTGATTCCGATGAGGAGACT  
TGCCAGAGCCCTGAGCACCCACCCAATGTGCCGAAAGGGTACTTGGCTGTTTATGTTGGGCCGAGCTTCGG  
AGATTTATCATTTCCACAGCTATCTTAGCCATTCGGTGTTCAAGGTGTTGCTGGAAAAGGCAGAGGAGGAGT  
TTGGATTCGATCATAGCGGCGGGCTCACTTTCCTTGCAGAAATCGAGACCTTCAAATACCTTCTCAAGTGCATG  
GAGAGCCAGCAGAAGGATCCTCCTGATGACCACACCCAGCTGAGAGTTCTTTGACCATGGAAGAATAAAAA  
TGTTGTGATCCACAGCAGGGGAGGGGGCTATATACAAAGACAAATTGATGTCATTGTGCCAGATTTAGAT  
ATAATGTTGTCAAATTGATGATGTGTTGTGGTTTTGGTTTTAAGATTCAAAAAACATTAGGGATGTGTTTAAT  
TAG

>trans\_c\_3151 NM\_123597|Arabidopsis thaliana metallocarboxypeptidase/ zinc ion binding  
(AT5G42320) mRNA, complete cds

TTTCATTTTCATTTCTCAAAAAGCTTCCAACAATGAAGCCACTCTTCAACTGAAAGTAACACCCACGATCTGTTT  
TTCCCTGTTTTTCCCATATGGGTGCGCCCTTCTATTCTTTTTTCTTCTTATGGATCACCTTCTTCTTCTTCA  
CATCTTTCATGTGTCTTTTCGTTACTGCTGATGATCCCGATAGATTAAGTCCAATCAACCACGATCTTATCATTC  
TAGTGTTGATTTGATGAAGGAGATAGAAGCTATGGTCCATCGACACCCAGATAAGCTGACTATAGAGACAAT  
GAAGTCAAAAATAAGGGCTATGCTGCAGAGATTCCAGTTGTTACATATCGCCGTGGAAGGAATAACATTGAT  
GACACCTCAAAATTCGGATACTTCTTAGTTTTGGACAGCATGGAAGGGAGCTCATAACAACAGAAGTTGCAT

TAAGAATTCTCTTAATCTTGAGTGAAGAACATTTGTTGCCCCACATGGATCATGCTTCCTTAAAAAACACACTT  
GATAAGCTTGTCAATTAAGGTGGTGCCAATGGAAAACCTAAATGGGCGAAGGCTTGTGAGGGGTGGGGATTTA  
TGTGAGAGAAGAATGGGAGAGGTGTTGATTTGAACAGGAATTGGAGTGTGCGATTGGGGTAAAAAGGAAAAAG  
GATTATGATCCTTATGAGGAAAATCCTGGATTTGCACCTTCAGCGAACCCGAAACTCAAATTATGCGAAAAAT  
TGCCTTAAGATTTGATCCACATATATGGGTCAATGTGCACTCTGGAATGGAGGCTTTATTCATGCCTTATGACC  
ACAAAAACACAACCTCCTGACGGTGAAATTGCTCAACAAATGAAACTTCTGCTTGAAGAGCTGAATCATCTCC

>trans\_c\_3152 FJ233094|*Jatropha curcas* lipase mRNA, complete cds

TTTTTTCCGTCATTCTCCGTTTTGCTAAGCTTCCTCCGTTTGGTGCAGAAGATTCCCTTTCTTCTCCGGCAAG  
AACTTATTGCACTCGCCAAGCTCCTTCGACACGCATGTCGCGGCACTCCTTTTTCTTAATTGAAGTCGGTGCC  
GACGCCGGTAATTCAACGTTGCGATCATCGGCCGAACCGCCTAATCTCCGGCCTGCTTTTCTCCTTTTCCAATTT  
TCTGGACTATGGAGCGGCATAGATGGTTGACAGTGGCGATTTTGGCTTGCCTGATCGTTTTTCCGTCGGAAG  
GGAGCTCAGATTGAACCACAAGCACAGCGATGATGCTATTTCTTTAACCATACTCTTGCCGAAATCTTGTTGG  
AATATGCTTCTGCGGCATACATATCTGATTTAACGGAAGTGTACTTGGACATGCACAAGATGTGATGACCTG  
ACTCAGGGGTTTGAAGTTATAGAACTGGTTGTTGATGTGCAGCACTGCCTACAGGGATACGTTGGAGTAGCA  
AACAGTCTTAATGCTATCGTTATTGCTTTTAGAGGAACTCAAGAAAACAGCATACAAAACCTGGATTGAAGACC  
TATACTGGAAGCAGCTTGACTTGATGTACCCTGGCATGCCGGATTCAATGGTGCACCATGGGTTTTATTATGCT  
TATCACAACACAACAATACGCCCTGCGATATTAAGTCTGTTGATAGAGCCAGGAAGTTCTATGGTAACCTTG  
ACATCATTGTGACTGGACATTCAATGGGAGGAGCAATGGCAGCATTTTGTGGCCTTGATCTTGACGTTAACTA  
CAATTCCCAGAACGTCCAGGTTATGACATTTGGACAACCTCGTATTGGCAATGCAGTATTTGCATCTTACTA

>trans\_c\_3153 AJ277533|*Asparagus officinalis* mRNA for S6 ribosomal protein (rps6 gene)

AAAAGCTTAAGGCGTCGTTTCGCTCTCCACTTTGCTCGTCTCTTTTCTGCGGCCGCTGCTTCAATCTCATCGTTC  
GAAGATGAAGTTTAATATCGCGAATCCGACTACTGGATGCCAGAAGAAGCTGGAAATAGACGATGACCAGAA  
ACTCCGTGCTTTCTTTGACAAGAGGATCTCCAGGAAGTCAGTGGAGATTCCCTCGGGGAGGAATTTAAGGG  
ATATGTTTTCAAGATTATGGGAGGTTGTGACAAGCAAGGATCCCAATGACCCAGGGTGTCTTGACCCCTGGC  
CGTGTCCGCTCTTGCTTCACAGAGGTACCCCATGTTTCCGTGGGTATGGAAGACGCAATGGAGAACGCAGG  
AGGAAGTCTGTGCGTGGTTGCATCGTCAGCCAAGATCTTCTGTTCTGAATTTGGTGATTGTAAAGAAGGGAG  
ACAATGATCTTCCTGGCTTGACAGACACCGAGAAACCAAGGATGAGGGGTCCCAAGAGGGCATCCAAGATTC  
GCAAACCTTTCAATCTCTCAAAGGAGGATGATGTTAGAAAATATGTTAACACATACCGTAGATCATTACCACA  
AAATCTGGTAAAAAGGTTAGCAAAGCTCCCAAGATTCAGAGGCTGGTTACCCCACTTACCTTGACAGAGGAAGC  
GAGGAAGAATTGCAGAAAAGAAAAGAGAATTGCCAAGGCCAAATCCGAGGCTGCTGAGTATCAGAAGCTT  
CTGGCCTCGAGATTGAAGGAGCAAAGAGAACGTGCGAGTGAGAGTTTGGCCAAGAAGAGGTCCAGGCTCTC  
GGCTGCCTCAAAGCATCCGTTGCCGCTTAGTTTGTCCATTATTATTTATGTCTCAGCCGTTCTGTTATCTTTAT  
ATTTTCCATT

>trans\_c\_3154 XM\_002306661|*Populus trichocarpa* f-box family protein, mRNA

GGGAGAGAGAGAAAGCGCAAAAAGTTGGGGCTTTGCTCTGCTTTGGGTTCCTTCCAAGCTAAAGAAAATAG  
AAAAAATGATGGATTTCTGGTCATTCTTCAAACGCCTTTTGTGTTGACTCTCTCCTCAAAGATACATTAACACG  
GAGAGGGCTTTTGTAAACTGGTTAAATGTCATTCCGTAGCATACTTCGTGATGTGAGGGATGGATTTGGAAG  
CTTATCAAGACGTAGTTTTGAGGTGAGGCTGTCTGGAAATCCAGGGGTAAATCTCATGGACCAGTTTATGAG  
TTTAATGATGAGCCTCTGCTAATTCAGACTAGCCGTTGGGCTAGCCTTCCACCCGAATTATTATGTGATGTGGT  
TCGAAGACTGGAGGCAAGTGAGAATACTGGCCTTCTCGGAGAAATGTCGTTGCTTGTGCTGCTGTATGTAG  
GTCATGGAGGGACATGTGCAAAGAAATGGTCAAATGCCCTGAATTATCTGGGAAGATTACCTTCCAATCGCC

TTGAAGCAGCCTGGGCTCGCGATGGCACTATTCAATGCTTTATCAAGAGGAACAAATCTAATTTAACTTATCA  
TCTTTATCTTTGCCTTAGTCCTGCTTTACTTGTTGAAAATGGGAAATTTCTTCTTTCTGCAAAAAGAACCAGGAG  
AACTACTTCTACAGAGTATGTTATATCATTGGCTGCAGACGATATATCAAGATCGAGCAACGGATATATTGGA  
AAGCTAAGATCAAATTTTCTGGGAACCAAGTTCATTATATATGATACACAGCCTCCTTACAACAGCAACCAAAT  
TCCAACCCTCGGGCGAAGCCGAAGATTCTACTCCAAAAAAGGTCTCACCAAAGGTCCCAGCTGGAAGCTACAG  
CA

>trans\_c\_3155 Novel Gene

AATATCTCTCCCACTGGCCCGCTTCCATCTTTCTTCCCTTCATCTCTCTGTGCGCCATTGCAAATCTGGAGATAATC  
CTTCTTCTCTTCCCCATTATGGAGTTGTTGCCTCGAAATTTGGACAATCTCAACTCCAGAGAAGCTCGTTCCG  
ACTCCCTCGTTTCTGAATTCGTCAAGGATGGGTCTACCGAGTTTTGCCGCCCGATTGAGTCTTCTAGCCGGGGT  
ACTCATATGACGGATTCTGTACCTTCTGATTGGACCGACGAGAAGCACCATTGTTTCTTGAATCCATGGAAGC  
ATCATTTGTCAGCCAAATGTTTGATTCTGGGCATTCCGTTGGTTCCTGCCCCAGCAAGGATAATTCTTCGCGGA  
CAAAATTGCTCAGCAAAAGCCAGTCCGCCTCTCACGTCCATTACATTTTGGCCAGTTTAAGGTTCTTCGACGA  
GGCAGCTGGAAGAACATTAATTTTGAACCAACTGAATCTCGATCAAATTTTTTGAATGAATACCAAGCTCTCTC  
ACATAATCCTTGATACATCACTTCAAAGCTGCTCGTAAAAACAAAATGTCGCTTGCAAAAGTCAAGCTATCG  
GTTCAAGAGGAAGGAAGTTCGTTGTCATTAGAAGCAGCTAATAATTCAGGACCTATACGTGCTTCCAACCTCTGA  
TTTGTCCCAGCAATATATCAGCAGTAATAAAGAAGTTTCGGATCAGAACTTTGTTGATGAAGTTGTAGAAGTT  
GAAAAAGGAAGCAGGGATTGCAATGCCAAAAGGGTCAACACATCAGAAACCAATGCTTTGATCAATGACCAG  
CCAGAAGATAGCTAGATCCAGATTGTCGCCAAGATGTGCCAAAACTTATCGACTACTTTTCTAACTCG

>trans\_c\_3156 NM\_121951|Arabidopsis thaliana atnudt20 (Arabidopsis thaliana Nudix hydrolase  
homolog 20); hydrolase (atnudt20) mRNA, complete cds

CTCCAATCCATTTCCATGGCCTCCAAATCTCTCGCGCACAGCTTTCGTAATTTCTCAACTGTCCCTTCCTTTTGCA  
TCGCTTCAACAATTTTCCGGACGACGTATACAACGATCTCTACATTTTCGCCCCACAGTACACCGCTCGATATCG  
GTTGCCTCTCGTCTGTATCGGTCACCCCCGGCAGTTTCACTTGGGACGACGTTGTCCATGTTTCTTACCAGA  
AAGCTTTCAGGATGATCCTGCGGATTTGACGGGCTATTTGAGAAGGTCAAGCTCTGCAATCGCGGATCAGAT  
ACGCAATCCGAATTTTTTCCGTTTGTATCGATGGCCAAATTGTAGGCTACGTGCACCACGGTTTCGCTAAACA  
CCTGCAGCAGTATCCGAACGTGTTTACCTTCTCTCAAGACGATTCTGTAAAGTTGGGGCTTACTTAACCTTGC  
ATGAATCCTTGAAGACACCCGAAGATAGGACGCGTGCAGTTGGAGATGTAGTTAAATGCTTGGGTGAAGAAG  
TCATTCCGGGCACACGGAATGAGCTTTTCCCTGTTACTTCGTCAATTTGGTGCGCCGAACTTTTTTCACTCGAAC  
GCGCTGCAGCCCCTTATTTTGAATAAAGCACAGGTTTATGGTGTTCATATGAATGGTTATGTTGAGAAGGAG  
GGAAAGAAGTTTTTGTGGGTTGCTAAAAAAGCCAAACAAAGCCAACTTTTCTGGAATGTTGGATCATTTAG  
TAGCTGGAGGGCTGCCTCAGGGCATCTCTGTGGGGAGAATCTGATGAAAAATGCAAGGAGGAAGCAGGC  
ATACCGAGATCAATATCAAAGAGTAATTTCTATAAAGAATTTGACAATGGACACGAATGTAACCTCCATGT  
A

>trans\_c\_3157 BT025497|Arabidopsis thaliana At1g29060 mRNA, complete cds

AATTCGTGTTTATATTTTTCAAACAAATACAACACTACTAAACGCCTCGCCAACGCGGCTTTGATCGGAAAATTC  
CCAATTTGCTTCGATCTCTTACCTTCTTGTGGACCCAGGATTCTGAATTTGGTTGTACCGATTCTGTTGTTCC  
TACTCCATTCACTCTTCGGATTAGGTTTTACGGCGTCCAGTTCGTTTCGTGGCGGTAGTTCCTTCTACAAT  
GGCGACGCCGCCCTTTTCGCTCCAGGGAGGGGCTTAGCACAAGACCGGCGGCTGCTCCGATGAAATTCAA  
CTGCAGATCGATCCGATGCAAGGGGACTTGACGACGAGATCGTTGGTCTCCACAGCCAAGTTAAAGGCTT  
AGAAACATTGCTCAAGACATTGGGACAGAAGCAAAGTCTCAGCAAGATTTTCTAGATCAGTTGCAAATGACAT

TGATAAAAGCTCAAGCAGGGGTGAAGAACAACGTAAGAAGATTGAACAAAAGATCATACAGAATGGATCA  
AATCATGTCATCCAGGTCGTCGTGTTTGC GTTGATCTGTTTCTTTATAGTATACATGTGGGCGAAAATGTCCAG  
AAAATGAATGTTTTTCTCATTTTGCTCACTATGAATGGAAATACAAGTTTGCTGGTCGGCGACGAGGGAAAA  
GAAACAGGAAATGATGTTTAAATATTTATCACTGTCACATCTCAGGTTATAGCATTGGACAGTGATAAAGTA  
GGCTTTGTTTTCTCTGTAAAACTTTGAATATACTTTTTATACGTTGTAAAGATTCATATTGTGGATCATAA  
CTATGTAGTATTAATTAATTCATGCCTAAAGTTTTATTACGTGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3158 NM\_001066602 | *Oryza sativa* Japonica Group Os07g0573400 (Os07g0573400)  
mRNA, complete cds

TGTTCTTAAGCTCCTCTTCTCTTCTTAATGCTGGTGTCTTTATCTCTCCCCACGGTGGAAGGAAAAGCCAC  
CCTTCTTCGCCATCGCCACCGCCGCCACCGCCGCCTTGAAGTTCCTCCCACTTGAAGAACTGAACAAACCTG  
CTGTGAAGTCCATCAAGAGTCCAGATGGGGATATTATTGATTGTGTTTCATATGGCTCATCAACCAGCTTTTGAT  
CATCCTCTTCTCAAAAACCAACAATTAGATGAGACCAATTTTCATCCAGAAGGAGGGATTTTAAGTGAGA  
GTAAAGTGTCAATTAAGGTTCAAAATCAGAGGATATAACTCAATTATGGCACTTAAAAGGAAAATGTCCAAA  
AGGGACAATTCCCATTAGAAGAACAAGGACATTTTAAGAGGAAATTCAGTGAAAAGCTATGGAAA  
AAAGAAGCCTTATGCAACCGTGAAACCAAACTCCATTGAAATTGATCTTAATGGACAAAATGGACATCAGCAT  
GCAATCATATATGTTGAAGGAGGACAATACTATGGAGCTAAAGCAACTATTAATGTCTGGTCACCAAAAATTC  
AACAAACAAACGAATTTAGCCTCTCTCAGATCTGGATTCTTGGAGGAACTTTTGGCCAAGATCTTAATAGTATT  
GAAGCTGGTTGGCAGGCCAGCCCTGATTTGTATGGAGATAATAACACCAGACTTTTCACTTATTGGACTAGTG  
ATGCATATCAAGCAACTGGCTGCTATAATTTGCTATGTTCTGGGTTTGTCAAATCTATAATGAAATAGCAATG  
GGTGCCAGCATTTTCCCTATTTCTCNTACAAAAGTTCTCAATATGACATTAGTTTGCTCATATGGAAGGACCCT

>trans\_c\_3159 AB255025 | *Oryza sativa* Japonica Group NYC1 mRNA for short-chain  
dehydrogenase/reductase NYC1, complete cds

AGGTTCAAGTACTCCTTTGACGGCTGTGTATGGATCGACAAAATGTGGTCTTAGGCAGCTTCAATCGTCTCTTT  
TGAAAGAGTGCAGGCGGTCCAATGTAGGAGTACACACCGCATCTCCCGGCATGGTTTTGACAGATCTCCTTCT  
TAGTGGTTCAACTGTGAGAAACAACAGATGTTCAACATAATTTGTGAGCTTCCTGAAACAGTTGCTAGAACA  
TTAGTTCCCGTATGCGGGTTGTGAAAGGAACAGGAAAGGCCATCACTACTTGACTCCTCCAAGAATCTTAT  
TAGCTCTGGTCACTGCCTGGCTGCGACGAGGTGCTTGGTTTGATGATCAGGGGAGGGCTTTGTACGCAGCTG  
AGGCAGACAGAATCCGAACTGGGCCGAAAACCGCACACGTTTCTCTTCACCGATGCAATGGAGATGTACA  
CAGAGAATACCTGGGTGTCTGTCTTCTCCCTTTGCGTCGTTTGCCTTCATAATTCTCTCAACCACAAACAACA  
CTCTTCCCGGAATTTGACTCTTGTCAACTTCAGCAAAGACGACATCATTACCTTACCGAATCAGAAGCAGCAT  
TGTTAGGTACTGATAGGGGAGAAAAGAAAGGAGAAAAGTGACATTGTTAGTTCATCTAGCATCCTTGACACA  
AAGAAAAACCAACCCCACTACCATTAAGCTAATGTATTGACTGCCTAACCACAAAGCAAAGCCTTGAAGTGGG  
TGGCCTCTCTCGAGGCCTATTTATTTATTTACTTCAATGGATGGACTGATCTGTATTGAAATGTAATGTGTAAA  
ATCTACACAGCCAAGTAAAGTTTGTGCCTTCTTTTTTTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_3160 Y17226 | *Lycopersicon esculentum* mRNA for cyclin-dependent protein kinase  
(cdc2A-2)

TTCCTCCTCTTCTTCTTCTTCTTCTGCGGCGCCATTTTACTGCGCCTCTCTACGCTCCGACACCGTCCCCGATT  
CCACGGGTTGCGCTTTGATTCAACCAGGATTTAAGCTTTGAGAACTTTGGTACTTTTCTTGTACTCGATGGAAC  
AGTATGAGAAAGTTGAGAAGATTGGAGAAGGAAGTTATGGTGTAGTTTACAAGGCACGCGATCGCGTCACCA  
ACGAGACTATTGCTTTGAAGAAGATCCGGTTGGAGCAAGAAGATGAGGGAGTGCCAAGCACAGCCATCCGT

GAAATTTCACTGTTGAAGGAAATGCAGCATGGCAACATTGTGAGGTTACAAGATGTAGTGCATAGCGAGAAG  
CGCCTGTATCTTGTGTTTTGAGTACCTGGATTTGGATTTGAAGAAGCATATGGATTCTCTCCTGAATTTCAAAG  
GATCCACGCCAAGTAAAAATGTTTCTTTATCAAATCTTCGTGGCATTGCATATTGTCATTCTCATAGAGTTCTT  
CACCGAGATCTAAAACCCCAAAATCTGCTGATTGATCGTCGTACCAATGCTCTGAAGCTTGCTGACTTTGGACT  
GGCAAGAGCATTGGTATTCTGTTAGAACATTCACGCATGAGGTGGTGACCCTTTGGTACAGAGCACCAGAA  
ATATTGCTTGGTTCCCGACATTATTCCACCCCGTGGATGTGTGGTCAGTGGGTTGCATATTTGCTGAGATGGT  
TAATCAGCGGCCGTTGTTCCCTGGAGACTCTGAGATTGATGAACTGTTTAAGATATTTAGAGTTCTGGGAACT  
CCAAATGAAGATACGTGGCCTGGTGTTACATCTTGCCTGATTTAAATCTGCTTTCCCCCAGTGGCCTCCCAA

>trans\_c\_3161 NM\_105232|Arabidopsis thaliana FRA3 (FRAGILE FIBER3); inositol or  
phosphatidylinositol phosphatase (FRA3) mRNA, complete cds

ATCACAGTGATGATGGTGCTAAGGGGGCGTCAACCTAGTTGAGATGCTCAGGTATGAGGCTTGTATGGATGT  
GGTGGATAGCGATCATAAGCCTGTTCTGTTGTATATTTGATGTCAATATTGCTCGAGTTGACGAGTCTATAAGA  
AGACAAGAGCTTGAGAAATCTTCATTCAAACGAAAAAAGTAAACATATGCTTGATGTGCTTTGCAAGATTC  
CTGAAGTTATTGTCAGTACGAACAACATACTTCTTCAACATGAGGATACATCTCTTCTACGTATTACAAATAAAT  
GCGAGAAAAGTGACGCAACATTTAAATACTTTGCGAAGGTGAGTCTACGATTGAGTGAATGGCAAAGCAT  
CAGGTCAATTATAGTCTTAGAGGTTCTTTTGGCTTTCCACGATGGCTTGAGGTCTCGCCTGCGACTGCAATTATC  
AAACCTAACCAAATTGTTGAGGTCTCAGTTTGTGTTGAGGAATCCACATGTCAGAAGGATTTGATGATGGCC  
ATCCACAAAACCTCATGGTGTGAAGTCACCAGAGATAAAAAGGTTATTTTGCTTGTTAAGGTGTACGGAACCTT  
TTTCTAGTAAGTCAAAGAATCATCGTATTCGTGTGCGCCATTGTGTTTCTCCTAAGACAGAAGGAACTGGTACC  
AAAACGAACAACCTCTACCCAAATTCATGGAAGCGTTCTTCAACGATCCGATATTCAGTGTCTCAGCATGTCCAG  
CGATGTGGTTGACCATCTAAGAAATTTGCATACCCCTTGAAGTGCAGCCAAGATTGTGTGGGAAATCATGCTTTT  
GGTCTTTAACAGATCCCNATTCTTCCAGCTTCTTTTATGTACATACCTGAGGCCATTTTGTATCAAAACTCGTAC  
T

>trans\_c\_3162 HM122427|Malus x domestica ABI3L domain class transcription factor (ABI3L3)  
mRNA, complete cds

ACTACAACAAAACACCCAAGGCATCGTCTGGTTGCTCGTGCATTGTGTGCATCCAACCTCCCAGTGGCAAGG  
GAAAGCACAAACCTACTTGATGTGCAATGTGTGTATGACAGTTAAACGTAGATTTAAACTCTAATGATGCG  
CAAGAAGAAACGGCAATCTGAGCGTGAAGCTGAAATCGCCAGAAGAATCAGCTTAAGTGGAGCTCTAGAG  
AGGAATCTGAGTTGGACGACACCTCTCGGCATGCATCTTAACTCGATCCTTCTGCAAATGAAGCCCAATTG  
ATGACAAATGAACCTAGAAGCCAAAGTAATTTGGTTGAACTTGTAAGGACCAATTAGATTTAAATTGCCAAC  
CTGACCAAGAAAATGAAGTAGATGGGGTGAACCGAGTGAGCATGATGAGTCTAGTTCAAATCGCAAGCCTAC  
CACTGGAGACATATTTGAAGCAGAATGGTCTTACAAGTTTGTTACCAGACCTACAGGTAAGTTCAGCATCACA  
TGCGCCAGCGCAAGGTACAAATGAGATGGAAGGAGCTGTAAATGACGATGGGTGTTTTGCTTCTGCTGCTCA  
AGATCAGGAAAGTGAGGGAAAACAAATATGCGGAAAAGATCAAAGCTGAAGTTCAATCCCGAAAGTTGAAT  
CCGTCTCTTGTGTTGATTATTAAGTACTAACATCTAAAATATAGGTTAGTTATTTAATTTAGTGTAATAGAT  
AATTGAATTTAAGTCTGCCTTTTCTCCTGCCAAATGTATATAACTCACCTTTGGTTAACAGTTGGAGTTTTTCCC  
GTTAAAATAATGCTGGAAAATTCTTGATACAATTGACACACAACGTCCGTTCTTTGGATTAGAATAGAACAAAT  
ATTCTT

>trans\_c\_3163 AF329934|Gossypium hirsutum ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase  
activase 1 mRNA, complete cds

CAAGAAGGGGAAAAATGTCCTGCCTCTTCATCAACGATCTTGATGCAGGTGCTGGTCGTCTTGGTGGTACACTC  
CAATACACCGTCAACAACCAAATGGTTAACGCCACACTCATGAACATCGCCGATAACCCCAACCAATGTCCAAC  
CCCTGGAATGTACAACAAGGAGGAGAACCCCGAGTTCCAATCATCGTCACTGGTAACGATTTCTCCACTCTCT  
ACGCTCCTCTCATCCGTGACGGTCGTATGGAGAAATTCTACTGGGCACCCACTAGGGAAGACCGTATCGGTGT  
CTGCAAAGGTATCTTCGTACCGACAATGTGGCTGATGAGGACATCGTCAAGTTGGTCGACACCTTCCCAGGC  
CAATCCATCGATTTCTTCGGTGCTCTAAGGGCGAGAGTGACGATGACGAAGTAAGGAAGTGGGTCTGTCGA  
GTTGGAGTCCAGGCTATTGGGAAGAAGCTTGTGAACTCAAAGAGGCCACCACCGAAGTTCGAGCAGCCAGCA  
ATGACACTTCAAAGCTGTTGGAGTATGGTAGCATGTTGGTTCAAGAACAAGAGAACGTGAAGAGGGTGCAA  
TTGGCTGAACTTATTTGAATGAGGCTGCTCTTGGCAATGCCAATGAAGATGCCATTACTAGAGGAGCTTTCT  
AAATTAAAGCTTGTGTGTTGGTGTCCAACCTCATTCATGACAATCATCATCAAGTTTGTGTCTCTGTGGGGAAA  
GGAAATGAGTGCTCTCATTATGTGAGATTCTCTCATCTATATATTCTTCAGGCCTTTTTTGTCTTTCTTCTTCTT  
TCTTTTGTGGAACCAAAATCACATATCAAAATAAAAGTCATTTCTTACTTTTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_3164 U53418|Glycine max UDP-glucose dehydrogenase mRNA, complete cds

ATTCTGAATCTCACACCAAAGTTTCAGAAAACCCAATTCCTCTGAGAGATTATAAATTGAAAAAGAAAAAA  
AAAACAAAAATGGTGAAGATCTGTTGCATTGGTGCTGGATACGTGGGAGGGCCAACAATGGCTGTTATTGCA  
CTGAAGTGCCCATCCATTGAAGTGGCTGTTGTTGATATCTCGGTGTCTCGGATCAATGCCTGGAACAGTGATC  
AGCTCCCGATCTACGAGCCAGGTCTCGATGGCGTTGTGAAGGAGTGCCGAGGCAGGAACCTCTTTTCAGCAC  
TGATGTGGAGAAACATGTCTCTGAGGCTGATATTGTTTTGTGTCTGTCAACACTCCCAAAAACTAGGGGTC  
TCGGAGCTGGTAAAGCTGCAGATCTCACGTACTGGGAGAGCGCTGCTCGAATGATTGCCGATGTATCCAAATC  
TGATAAGATTGTAGTTGAGAAATCAACTGTCCCGTCAAACTGCTGAAGCAATTGAAAAATCCTTACTCAC  
AACAGCAAAGGAATAAAATTCCAAATTCCTCTCAAACCTGAATTCCTTGCTGAGGGGACTGCAATTAAGGATC  
TGTTTAACCCGGACCGTGTCTCATTGGAGGGAGGGAAACCCAGAGGGTCAGAAGGCCATCAGTACACTGA  
AGGCCGTTTATGCTCATTGGGTACCCGAAGACCGAATTCTCACTACCAATCTTTGGTCTGCTGAGCTCTCCAAG  
CTTGCTGCTAATGCTTTCTTGGCTCAGAGAATCTCATCTGTGAATGCTATTTCTGCTCTATGTGAAGCCACTGGT  
GCAAATGTTTCACAGGTAGCCTATTCCGTTGGCACGGATTGAGGATTGGACCCCTGGAAGACCATAACTAT  
GTAAC

>trans\_c\_3165 Novel Gene

TCCTTTTCACTTTCAGCAGCTTAAAGCTCTGAAACCCTAATTCCCAAATCTCTTCCATGGCGTGACAATCGACT  
TCCGCCGCCTGGATGAGGGTTTTGGTGGAAAAACGTATAAGAGAAAGCGTGAAGAAGCTGAGAAAAGCCTC  
ATCATCACTGAATCCGAAAATGCCGACACCGCAATGGAGATCGACGACTCACTTCCACCACCACCTGCCAAGC  
GATCCGCTATTCTTCTCGGAAAATCCTGATAAACCCACTTACGGAAACCCACATATGACGGCGTGATTGCC  
GGAAAAGTCTCCGGACGGAAGTGGAACAGCCGCGGAAGCACAGGACGTCCGCTATGCAGGTGAGCCGTAA  
AGGCACCACGTTTCGAGGAGAGGGAGAGGCAGAAGATGATTAAGGCGGCGTTTAAGGAACGGAAGGAGGAG  
TTGAAGGAGCAGATTAGGTTAAATAAGGTGGAGAAGAGAAAGAAGAGGGAGGAGAGAGAGAAGAAGAAG  
AAGGAAAACATTTTGAGATCTGGAACCTAAGCTACAAAAGATTACAAATCCCAAACACTGAAGAAGATTGCA  
AAGTCTAAGCAGAAGAAGCTCCTCAAGTTGTTCTGAGGATTACATCAAAAAATAGGCCCGTCGTTCTGTT  
CTAAGGTTTTTACACCACCTTTTGAGTAATATAGAGAGATTTATCTGTTTTCTTTTGGAGTTTTTGGCCGAATTT  
CTGTATCATTAGTTCTAAACGCATAAAAAATGTTGCGGAAACCAAGCATATAGCTGCATTTCTTGATGTTTATA  
TTTCTAACAATATTAGAAATTTTGATTAATCATCTTATTTGGATCACATTTAGAACTAATATCATTTATAAACTAC  
AGCCCATTT

>trans\_c\_3166 Novel Gene

GAGCAGGAATGTCTTGGGTCCGTTGATAAGGCTGGCGCGAGAGCGAGGAAGAATATTAGCTCAGGCATCGC  
TGCTAATTGTTTTGTGTTATTTGTCCGCTGTAATCGTCTTTGAAGTTTAGACGCGTTTGATCACTTAATTTGTTCA  
TGA CTTCGAGCAGTTGGAGGAGATCATTTGGGAATGTCAGGTCCTTCATCGGCAATTCGATGGGCGGTCTCA  
GGGGTGGTGCTAATCTCGCTTCTTGGGTTGTGGCTGGAACCCTCGCTTACTACCTTTGGGTCAAGCCTTCCCAA  
GACCTCAAACGGGAACAGCAGGAAAGGGCTGCTCTTGACGCTGTAGATCCTCATCGGTATATTGAGAAGAGA  
AAACCTATTCCTGATCCCCAGGAACTGGTTTGATATATGGCAACAAGAATACACCTCAAAAACCCGAGGAAT  
GAGCTACAGAGAGTGAAATCTTTGGAGAAATGTAACGGCTTAAGCTTTTCACTGATCAAAGTTGAAGAAGGG  
GGTCAGTAATTATAATGTTGGTAGAAGCTAGAGCCTAAAACAGTGAAGATTAGAAGGTGATAAATGAACAAA  
ACTGTGTGGTTCAGTAAAGAGGTGTGGTCAAGAGACTTGAATCCTTTAATGGAACCTTGAGTTGAAGATTGA  
AGAAGTTGTGTACTTTGCGTTTGGCGCTGATGAACAATTGGATTGTCTACCATAGATTTATATTTCTAATTTCT  
AAAAAGATTGTCTACCATAAGAATTTGGTTATTACTTTAAGAATTCAAACTTTGAAATTTGTGTTTCTATCCGTC  
AATATATATTGTAAAAAATGATTGATTGAAATCAGTAGAGTTTGGTTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_3167 AY500307|Arabidopsis thaliana At2g39160 mRNA, partial sequence

GCTGGTTGTCCTCCAAGGCAAGCCCCACAGGATTCAATGGCAGACCTCTGCTGACGAATATAAATTCGAATTT  
GTCTCTACCTGCCATCATCTAACTTTTTCCATAAAAAGCTTCAAGAAGAAGAAGAGGATAACACCCATTGCT  
GCTATCTCTCTCAAGAACCACTGACCGCCTTGTTTTCTAGGGTTTCCTTGATGAACTGCCATTCACCTTTGAAA  
GGATGCATAGATTCTCCACAGTTGACGGCTTTGTGGAGATAGCTGAAAGCTCAGCAGAGATGATCAAGTATAT  
AGCAATGAACCTTCAACTGGGCTTTTCCACATTCAACAGCATACAAAAATGCTGTTCCCAATGTTATCAATC  
TGAAGAATAGTGTGGTAGACAAATCTCATGAAACAACCTCCACACTGAAGATTCAGAGGATTCAATCGCAAT  
GTTAAGATCGATGAAAGAATGTGGTTTTCTATTGCTGATGAGATGATCAGAGACATAAGGAAGTCTCTTGCT  
ATAATGTCAACCAAAACAGCCAAGAAGGGGCTTGATCCATAATACTTCTGGCATGCAGCAACAACAGCCAGGG  
AGAATGAGCACTTGAGGTCGGCCACTTGGGGGCGAAGAGCAATTGGAGCCCCATTTAATGATGACAGTGG  
AGGTTATATTTGACAGTATTCAAGTCGGCAAGAGAAAAGACGAGCAACTTTAAGTGGCCACAACCTTGACATC  
AAGGAAGATCTTGATATGTTGAAGTTGATAAACTACAGCCACAATCCATCCAACCACCAGTTGCTTCTACTAC  
TTCTAGCTCGTCACAGCCAGATATGGACAATGAGGAGTTGCCTCTGTCCAGTCAAGTAAATGATGAGTCGCAC  
ANGA

>trans\_c\_3168 BT012127|Arabidopsis thaliana At4g36660 gene, complete cds

ACCCTCCAGTTTCTCTGAAGTGAGAGAAGAACTCTCTTCTCCGTCCAAATCTGGTTCTACCTTCGATTTAG  
TGAGGAAAAAAGAAAAAAGCGACGCCAAAAATTCCTCAATTGTTGTACAATCGATTTCTAGGGCTGTGATT  
TGAGTATTTTGATTTTGATTTTGATTTTGTTTTTTAATTTTGCTTCTTATTGTCGTTGATCGATATGAAGGA  
CGACGATGTCCTTCCAACGACGATAGCGAGTGCCGGGAAGAAAGAGAGCTCGGTTTCGAGTTTATTCGGCAA  
AGGACGCTACAAATTCTGGGCATTGGCTGCCATTTGTTGCTCGCATTTTGGTCTATGTTACCGGTACCGTCT  
CTCTTCGATGGTCAGCCGGTAATCTCAACGGCCTATCAGATGATATCGATTTTAACATCCATGACGATCTCGAT  
GTGCTTGAGATGGAGGAAAGGGAGAAGATAGTGAAGCACATGTGGGATGTTTATACAAATAATCGCCGGAT  
CAGGTTACCGCGTTTCTGGCAAGAGGCATTGAGGCTGCGTATGAGGACCTGACCAGTGAAGTGCCTGGTGA  
TAGAGAGGCTGCAATTTCCGAGATCGCTCGAATGTCCGTGCACTCCGTTGTTCTTGATACGCCCTTCGGACCAAT  
CCACGGCTGCACGAGAGTTCACAAAGAGGCAGAAAATAGCAGATAAAAGCAGGCAGGCAGCTACAAAAACT  
GGGAGTAAGCTGTGACATGAATGATCCAAGGGTCGAGGCCTCTCTATTCTCTGCCTTTTCAGCCATTAGATGC  
TGTCTGAAGTTTGTAGGAGGCAGTTATTGGCAATCTATATTCTTTAAATTTTGATATTTTTCCCTTGCTTTTA  
C

>trans\_c\_3169 BT025543|Arabidopsis thaliana At5g57345 mRNA, complete cds



>trans\_c\_3170 XM\_002320356|Populus trichocarpa glutathione peroxidase (PtrcGpx4), mRNA

>trans\_c\_3171 NM\_128586|Arabidopsis thaliana GCN5L1 family protein (AT2G30330) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3172 NM\_123613|Arabidopsis thaliana ARC6 (ACCUMULATION AND REPLICATION OF CHLOROPLASTS 6); protein binding (ARC6) mRNA, complete cds

GAGAATCCACGAATCCAACCGAAAGCCATTTTTACGGAGAAATTCCAAGACTCACTGAAGAGAAGAAGAAGA  
AGAAGCTTTTCGAGTTGGCTCCGTGCAAAAATACGCATTCCGACGGACGGTAACAATGTTGAGCCACTCAACC  
ACCGGTCTCCACAGCCGCTCACTTTTCACATTTCCAAGCATTAAACCACGACGGCTCAACCACTCCGGCGGGG  
GTAACGCCTCCGTGAAATGTGCCGCTAGCAAATGGGCCGAGCGACTACTCGGAGATTTCAAATTCCTCTCTGA  
TTCCTCCTCTGACCACTCCCATTCTCTCTCCTCCACCGCTGTTACTCTCTCCCCTTCTTTCCCTCCCCAATTGCCT  
CAACCGAGCGCCAAGTTACAATCCCCATCGATTTCTATCGAGTTCTTGGAGCCGAGACGCATTTTCTTGGAGAT  
GGAATTAGGAGAGCTTACGAAGCTAGAGTTTGAAGCCGCCAATATGGGTTTAGTCAGGAGACTCTGATAAG  
TCGCCGGCAGATTCTTCAGGCAGCTTGCGAAACCTTGGCAGACCATACTTCGAGAAGAGAGTACAATCAAGG  
ACTTTCAGATGATGAAGATGTTGAAGATCTGGACGGATCGTGCAATCGAAATTTCAGAACTCGGTTGGCTCTA  
TGATTATACTCTCTCAAACCTCACCATTGACAGTGTAACAGTGTCAATTTGATGGTCAACGTGCCACGGTGGAAG  
CAACTCTTGAAGAATCAGCCCGTCTCATTGATGTGGACCATCCAGAAACACACGATTTCAACCAGAAAACCTAT  
ACGACGAGATACGAGCTGTCATATCTAAGTTCTGGATGGAAAAATACAAAAGGTGCCGTTCTTGAATCATAAT  
TA

>trans\_c\_3173 NM\_001060496|Oryza sativa Japonica Group Os04g0628600 (Os04g0628600)  
mRNA, complete cds

TCAGAAGTTGATTTCGATGGGTGCAATTGCTGCTGGATTTCTTAGGCTACTAAAGCTGGAGGGTTCTATTGGTC  
AAGCCACCTTGGATCAGCTAAGCAACCTTGAAGTGAAAGCATTGACAAAATCTTCACTCCAGAAAAGCTTAG  
CAGGGGAAGTAGTCTGGCCAGTTTGGGAGTGTCTCCGTGAGCATATTTGATCGGGGAAAGCCCACGTCCAAC  
CATAGAATCTACAGTGACTTCTCTGGAGCAGGCTGTTCTTGATTCCCAATCTAAATGCACTTCTCTCATGACCG  
AACTTAGTAGTTCAGATTTCGTCATCACATGTAGCAACTATTAACAACCTCCACGAGAACTTGATAGCATGCAAG  
ACATTACTGTCAAGGTTGCGGAATCAAATCTGATTTGCATCTGCTGTTATCTTATTTTGGCATGGCTATGCAATT  
GGAGGTTTCATCCGGGCGAGGTGGCTATATCCTATTTTCAGGAATGAGATACTGTGACGTGACCAATATTTGCT  
CATCGTTTGGAACTGCAGTGCCGTGCTCGTCTCCCCTGAAACTCACGGGGTGATTCAAGAATTGTGTAATTC  
AAGATAGAAAGAGGTCATTTCTCAAATATATAGTTGCGCCATTCTTTCTCCAGTATATATACATATATAGAGATA  
AATAGAAATGCAAGTTGAGTGTATGTAATTTAGCTCGGGAGAAATGATATTTCAATTTTGTAGACTCAGATTTT  
TCACTCAAAAGTAATGAGTTTTGTACATGACTTTGTTATATATATAATGCTCTATCATGTAGAAAATTAGTTGCT  
TCATTTGTTGTTGCCCTAATATCATTGTGTTGCTATAATAATTTTACTCCCTTAATGGAATTCAGTTTTG

>trans\_c\_3174 GU065681|Populus trichocarpa tau class glutathione transferase GSTU50 mRNA,  
complete cds

AACTTCAAATTGAACAAATCCTCCATTGAAGATGACAGAAGTGAAGCTACATGGAGCTTGGCCAAGCCCTTTC  
AGTTACAGAGTCATTTGGGCTTTGGAACCTCAAAGGCATTCCCTACGAATACATTGAAGAAGATCTCTCTAACA  
AATCTCCTCTGCTTTTGCAATACAATCCTGTTTATAAGAAGATTCCAGTCCTCGTCCATGCCGAAAACCCATCT  
GCGAATCCATGATTATCCTTCAGTATATCGATGAGACCTGGCCAGAGAATCCCCTTTTGGCCTCCGATCCTATTC  
AGAGAGCTGCAGCTCGGTTCTGGATCAAAATTCATAGAAGACAAGAGCATGGAGATTTGGGGATTATTTATCG  
CGGAAGGGGAAGAAGATAAGGAAAAGGCGAGAAAAGCAACCTTGAAGTGTTGAAGACAGTGGAAGAACA  
GGCACTGGGCGATAAGAAATTCCTCGGCGGCGATGAAATTAACATGGTGGATTTGGCGTACGGGTTCTTGC  
GCGGTGGCTGCCGGTGATGGAAGAGCTGGTGGACGTGAAAGTCCTGAACCAAATACAATCCCCGGCTCTA  
CGTTTGGGCAGAGAACTTCGGAAAGCCGCTGTGATCAGAAACAATCTGCCGGATCACGACGAGATGGTGCC  
GCGGCTCAGTCCCGAGGGAGCAGGTGTTGAAAATGGCGAAGAAATCATAAGTGCGATTCCAGATTTTGAT  
TTGGGAAATTAGTGGTTTTGGATGTTTGAGTTTTATCTTTGCTGGGTGTGTTTGTATTTGTGAGTGTCTCTACTC  
TTTGCTTGAGTTTATACAAAATAAAATGAAGCTAAGCCACGTTTAAACATTAATAAATTTGGTATTGGTTCGCAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_3175 Novel Gene

AACATTTTACATTTGGCTGCAAACTAGCTGCTTCAAACCATCTCAATAAAGTCTCAGGAGATGCACTTCAAAT  
GCAACATGAATTACTTTGGTTTAAGGAAGTGGAGAAGATAGTTTTGCCTTCCCAATTGGAGGCCAAATGTGAT  
ACAGATGATGTTTCTATCAAGTTAACACCACGTGAATTATTCACAAAAGAACACGCTCATCTTCGCCGAAAAG  
GCGAGGAGTGGATGAAGAACACTGCAAACCTCATGTATGCTTGTTGCCACTCTAATCGCCACCGTAGTTTTCGC  
CGCAGCCTTTACAGTACCCGGAGGTGGAGACAATAGTACTGGCACTCCTATTCATAGACGGGAAGTTTGTTT  
ACTGTTTTTGTAATGTCAGATGCAGCTGGTTTGATCACATCCTCAAGTTCTATTTTGATGTTTTATCGATGCTA  
ACTTCGCGTTATGCAGAAGACGACTTTTTGCACTCGCTGCCTTTAAGATTACTGTCTGGACTCACAATGCTATTC  
TTCTCCATCGTATGCATGGTCGTCGCTTTACTGCAACCTTCTTTTTGCTCTACCATGAGGCTAACATTGGTATT  
CCCATCACTATTGCTGCAATGGCAATTATTCCAATTGGTTGTTGTGCACTTCAATTCAAACCTGTGGATCGACACT  
TTTCACAACACTTTCTTGCTAGATTTCTTTTAAGCCTCGTCAACGAAAATTCTCTCATCATATTCAATTCTTGT  
AAATATTGCACGTGATACACCAACTAGCTAGGGGTGTTGCATTGGTTATGTGAGAACACTACTCTTGTTAAAT  
AACAGAATTGAAATGTATATTGGGTTTCATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3176 NM\_001185483|Oryza sativa Japonica Group Os01g0550600 (Os01g0550600)  
mRNA, complete cds

TGCCAGATGAAAACAATGGCACGTGGTCTGAAGTCAAGATTATAAAGATAAAACCAGGAGAAGAGCAACAA  
AGAAATAAAGATTCTGTTGGAACAATAAGGGAGGATGCTGTTGAGAGAGAAGAGACTGCTCCCTCAAACCCC  
GTTGAGGACAGAAATCCATCTATAACAATCTCCAGGTACAGAATTTGAAGATGAAAAAGAAATTCCTTGTCACA  
GTCCTATTCAAGAAGCAAGCCCAAACATTCCACAGGGAGTTGATAATGCCGAATCGTTGGCATCGATCGGGCA  
GCAGTTTGGAAGAACTTACAGTGCTCAATGGAGGATGGATATTCATGCTCTAGGAGTGCTTACAAAATCAAA  
AGACTGAAGCACCAATTTCTTCTACTTGAGAGGCTCGTTGGAAAACAAGAACTGCTCGGAATTCGAAAATG  
AGGATAATGGACAAGTTGGCATTAGAGAATTTCTTTGTTTCTGACACTGCTGAATAAACAAGTGGGCAGATA  
TAAATTCTCTGCAGGAGAAAACCTGATGAACCTCGCCAAAGGATGCATGATTATGAAGCCAAGTGTAATGTG  
GAGAGTCTAAAGTAGTTAGAACGAAAGGGAAAACCAAAGCGCTAGAAAACCTCCCTTGAACAGACATTTCAA  
CTACAAAGATACCTCGTCTTAACAGGCCAAAATGGATGGAAATTCATCCAAGATTAGCCTGGAGTTCGCCA  
AGGTTTCTGATGAACCTCAAAAAGTCCGGTAGCTTTGATGTACGCGCTTTGCCAGTAGTATTAGAACTCTTTC  
CAAGAAGTTCAAAGAGGTCTAGAAGTTCGAATAACTCGAATTATCGGAGGATTTAGAGGGAACCTTGGCGTGC  
GAGGGTATGA

>trans\_c\_3177 AF302931|Lycopersicon esculentum plastid quinol oxidase mRNA, complete cds

TCGGGAAAGTGCCAACTGCCGGCTAACAAATCTTCCGGGGTTCAGCCCCATACTCCCCACTTTCTTTCCACG  
ATTCCAACCTTGATCTCCAAATCCTACCCCTCCCTCCAAAGCTATGTCAATCGCTCTGTCTTCTTCTTCCGCA  
GTTTTTGCTATCTCCTCCGTTGAATTGAAGCCAAGCAACACCAAGAATGTTACCTCCTCAGAATACCCACTTCC  
TTCTCTGCACGCCCTTTAATTTCCAGAAAATCATGTGCGGTTATGGCAACTGTTCTAAAGGAAGATGAGGAAA  
AAGTGGTTTTGGAGGAATCATTCCCTCCCAAGGCTTCTCCTGTTCAAGACGGGGAAGGAGGCAGTGGCCAAG  
GACCACAAAGTTCATCATCCAATGGCTTGATAAATGGATCATTAAGCTTGAACAATCTATTAATGTTCTTCTC  
ACGGATTTCGGTAATCAAAATCTTGATGCATTTTACCACGATAGACACTACGCAAGGTTCTTTGTGTTGGAAC  
TATTGCAAGGGTTCCTATTTTGCCTTGTGTGTCAGTTCTTCATATGTACGAAAGTTTTGGTGGTGGAGAAGAG  
CAGATTATCTGAAAGTTCATTTTGCTGAGAGCTGGAATGAGATGCATCACTTGCTGATCATGGAGGAACTGGG  
GGGCAACGATTGGTGGTTTGATCGTTTTCTTGCTCAACATATTGCTGTTGCTTATTACTTTATGACAGTATTTAT  
GTACATGATTAGCCCAAGAATGGCATATCACTTTTCTGAATGTGTTGAAAGCCATGCATTTTCAACTTATGATA  
AATTTTAAAGGCCGAAGGAGAGGAGTTAAAAAACAGCCTGCTCCTGAGGTTGTCGTGAAGTATTA

>trans\_c\_3178 NM\_001063044|Oryza sativa Japonica Group Os05g0594800 (Os05g0594800)  
mRNA, partial cds

AAAGAAGAGAAGAAATATCTCAATCTACAGATTCAGTGCTTTCTTCTCTTCGGATTCCCCTTCTTCCCACAACT  
TCCTCTATCGATTTCTTGTTCTTCTTGTTGTTGGAAGGTGGATTGAATAAGTGAAGATATGGACTCGTCGTCTAT  
AGAGGCTGTTCCAGCAATGCAGGAAATACTTCTAGAGTTTCGTGCTGGAAAAATGTGTTTTGAAGGAAAAAG  
GGTTGTACCTGATACACGCAAAGGACTTGTTCTGATTGGAAGGGGTGAGGAGGGATTGCTGCACTTTCAATG  
GCTTGATCGGACACAAAATGTCATTGAAGATGATCAGATTGTTTTCCCGATGAAGCAGTTTTTGAGAAGGTT  
AATCAAGCTTCAGGAAGAGTTTACTTATTGAAGTTTAAAACAGATGACAGGAAGTTCTTCTTTTGGATGCAGG  
AGCCCAAAGCTGAAGATGACCAGCAGTTATGCATCTCTGTTAATGACTACATTAATCGGCCACTGGAGTTTCTT  
GAGGAAGAAGAACCCGTTGCTTCCACTCCAATGCACGTTTCAGAGGGCACAGTCGAAGAAAATACCCCATCG  
AGCTCCTCACTACGGCCAGTGAAGTTGGAAGACCTGCAAAGAATTTAAGTAACATCGAGCCATCTGATATTG  
ATGTCGATCCAGATGCAGGTTTTGGATTAGGAGACTTATTGAAGCCTGATCTGATAATGCCAGTGCTGGAAAC  
GTTACCATTGGAACAGAGTTTAGCATCATATTTGCCTGAGGGTCCATGGACTCCTGAGGATATATTGGAGCTT  
TTACAAAGCCCACCCTCCGTCAACAAGTAGATTCATTACTTATGTTCTCCGGACTGGACAGATAGATTGTCT  
CA

>trans\_c\_3179 NM\_001035851|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein (AT1G01490) mRNA, complete cds

CACTAAATTTGCATTCCTTCATTTCTTCTCTCTCTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTTCTTCTTATTCTTCATCGT  
CCTCTGCAATTTTCCCTGCTACCATTTATCTACAAAACCCTAATCCTTTGTCCTCAACGAACAAGGAACTTG  
CGGGCATTATATCTACATCCCCTCTCAGCAATGAAGAAGGTTGTTCTTAAGCTCGATTTGCACGATGATAAA  
GCGAAGAAGAAAGCCTTGAAGCTAGTATCCACTCTCGCAGGAATCGACTCGATTGCGATGGATATGAAAGAG  
AGGAAACTAACAGTAATCGGGCGGTAGATCCGGTGACGATCGTGAGTAACTGAGGAAATTCTGGCCGGC  
GGAAATCATATCCGTGGGACCGGCGGTGGAGCCGAAGAAGGAAGAGGAGAAGAAGGAAGGAGAAGGGAA  
AAAGGAAGAAGAGAAGAAGAAAGAGGAAGGAGAAGGGAAGAAGGAAGAAGAGACGAAGAAGAAAGATC  
AGGAAGGTGGAGGAGAAGGAGGGGAGAAGAAGAATCAAATCCGAACCCAAACGATGCCGTTTTGGAAC  
GGTAAGAGCTTATAGAGCTTATAATCCTCATCTCACAACCTATTATTATGTTCAAAGCATGGAGGAGAATCCAA  
ATTCTCGTGCCATTTGTTAGTTAGTTCATGCAAATTATTCATATATAACAACTGTATATGAAGCTTTTTGTGGT  
CTGTAAAAATGGCGGCTCCCTTTTGTGTTCAACTTTTTCCGATCTATGTTTATGGTGTAGAAAAATATCACAT  
ATATGTATTTATATATTATAGGGATTATTATGATTGTAGTGGATCGCCTCTTTCTACGATTATGATATTGAAAG  
TATG

>trans\_c\_3180 NM\_111873|Arabidopsis thaliana SEC8 (SUBUNIT OF EXOCYST COMPLEX 8) (SEC8)  
mRNA, complete cds

GGTAGCTGATATTAAATCTATCAATCTCTTTGGCGTTCAGCAGATATGTCGGAATTCAATCGCACTTGAACAGG  
CGTTGGCAGCAATTCCTTCAGTTAACAGCGAGGTAGTACAGCAGAGATTAGATCGTGTGCGTACTTACTACGA  
ACTATTGAACATGCCATTTGAGGCCTTGCTTGCAATTATCATGGAGCACGAGCATTTGTTTACTGCAGCAGAGT  
ATGCAAATCTTCTCAAGGTCCAGGTTCCAGGAAGGGAGATTCCACCCGATGCACAAGACCGTGTATCCGAGAT  
CTTATCTCGTTAGGTTTCGTGCCACTCATGTATCCGAAATCTTATCGCATTAGGTTTTGTGCCACTCATGTATCC  
GAGATATTATCCCGTTCACTCCCCAAATGCTCCGGATGGCCTTTGCTCATGCCATATGCCATTTTCAGGGGTAT  
CTGTTCTAAATGTGAAGCATATAGCTCGGTAGTTGTTGAAGTATAGCTGAATGGCAACCTTCGATGAATCATTC  
CTTCCCTACGATGGAGGTTGCTAGCTATCCACGGTTTTGTTATATGCGGTAAATTTAATCATTTTCAATTTGTGGC  
GGTGGTTTTAAATCCTTGTGTAGAATCAATTTTGGTTCTTTTTTGGTTTGTGATCCTCTTCAGTAACTTCAATT  
CAGGTTGGTGAGAATTGATAAGGTTCTTTTCATTTTTTTAAAAATGTACATGTAATGTAGAAACGTTTTACTT

GTATAAAAGTATATTATTGTTATTATTCTTTCTTTTCTTGTTTTTTTCACTAATTTTCATCTGAGGTGGGTGGTTC  
TAACTTGAGTGATGTTTTTCGCTAGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3181 NM\_001052391|Oryza sativa Japonica Group Os02g0141000 (Os02g0141000)  
mRNA, complete cds

ATTGCTCAATAATTGTACTCGACAATCGTCGCTGTGAAAGATGGGTTCGATCGCGCCGTCGCCTGTGGTGGTT  
CCTGCTCCTGATTCCGATCAATCAAACAGTCTTCACAATGTTTTCGTCTATGGAACCCTCTTATCAGATGACGTC  
CTTCGTGTTCTTCTGAAGCGCATTCTCAATCGTCTTCTGCTGTTCTCCATGGCTATCAGAGATTTAGCATTAGA  
GGACGTTTGTATCCGGCTATATTGCCTGTTGCGGATAAGAGAGTACTGGAAAGGTTCTCTTGACATCACGA  
AACCAGAACTGGATATTTTGGATAGACTTGAAGCAGATGAATATGAAAGAAGGGTTATCGAGATTTCTTGGT  
GGATGGTTCCAAGAAATTACCTTCCCTTGCTTATGTTTGGAGGAACAACGTAGATCCAAACCTGTATGGAGAG  
TGGAGTTTCGAGGAATGGAAGGTTGCGAAACGACGAGTTTGTAGAGATGGCTACTAGATTTGTGGAAGA  
GTTGAAATTGGCTGAGCCGAAGTCGTCCTGCGGATTATGAATCATTCTACCATATTGAAGGAGGTGATAGC  
ACTCTCATTACTTGATATCAAATAAGTGGTATCCTATGTTGAAGAATTTAAGTAATTGTTGCTCATCTTACTATC  
TCATGGTCCATAAAAAAATATTAATTACATAGCTTTGCTAAAAAGAAAAAAGCAGGTTTCAGTACTTTGTGTT  
TAAGGGAAAAATTAAGTTACTCTCTAGTAAAAAGAAAAACAAACAGAAGTTGTGTATAAATTATAATTGTG  
TATGGGAATAAAATGGTAAATCTATAAACTTTTATTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_3182 AF032473|Citrullus lanatus ADP-glucose pyrophosphorylase large subunit 2 (wml2)  
mRNA, partial cds

TAAAGTGAAGACTTTTGAAGGAAATCAGTCACCCCCAGTATAGACGTGTCTTGTAAATGCCAAGCCAAGTCAT  
CCATTGGATGGTAATACTGTAAAGAGCACTTCTTCTCCTGTCAATATTGATGATGAAAAGGTATGCAATGCATC  
CCCATCAGGCTCTCAAACAGAAGAAAAGTCGGTTCCTCCTGTTATGGAGGTTTTAGCTGATTCAAAGCTGAA  
AAATTAGAGCCATGTGACGATGTTCTGATAAGAATCTTGATGTGGTTGAGAACGAGGTTGCAATTTCTTGCG  
AGAATGCATCCCCGAGTAAGAACCCTGTTCTTGCACTTCTACTGCAGGGAAGGAGACTAGAAAAGAGGAAAA  
AGAAGATCAATAAAGATGTTGGTCAAAAAGAGCCCAAGACTGGAAAGGCAACAATAGTCTGGAAATTAAGT  
AAAAATAGAGCTGAAAATAGAAATGCCAAGCAAATATTAACAACTTAATATAACTTGTGAGTTTTAAGAGAGT  
AACTCATTACAGAGATGAGATTTGCTCATCCAAGAAGCTAATGTCAAATGGCTTTGAAAATTGTTCTCTTATG  
ATATAAGGAGTTGTTATTACTCAGGATGGAAATGTGTTGCCTTCCAACCTTTTACATATATGAAAAGAACTAG  
TATTTTACATTAAGGGAAGTTATACGCTATTACTCGTTGCCGAGCATTGTAGGTTGAAAGCCTCTAGCAATTGC  
TTCCTTTCAACTCTCAGCTATCTCTTGACCTGAATGAGAGGTTGCCTTTGGATTTTAAATAATGGTTCCATCTTT  
ATTGTTGCATTCTTCAACGTGACTGTGATACCGGACCTTATATAAAACCTTCTTCTGGTCTATCTGCTTCTT

>trans\_c\_3183 NM\_100314|Arabidopsis thaliana lesion inducing protein-related (AT1G04340)  
mRNA, complete cds

GGGCAGCGGAAGGAGTCTCGATCGGGCGAGATCACCTCTTTCTACATTTTTTCAATCTCGAACAACCTTAAACAA  
ATATGGGGTCTTCTCCTTCTTTGGACGGCTCCTTTTGCCTCCTTTTTCATCCTCTCCGCCTGGCAGATGTTAA  
TGAGTTTGGCAATAACGGAGGGCCAGCAGCTGCGGAATTGTCTTCAAAGGTAGCTGTTCTGAGGAGAAATTT  
ATCATCCAAGCTGGCGGTTGCAATACCTGATATTGATTTTTCTCAGGTCAGACACTTGGTTGCTCTTTCTTATC  
TCTCAAAGGGATTGGAGGTCTTCTGTTTGTGTTTGGCAGTAGAGTTGGAGCTTATCTCCTGCTTCTGCACTTGG  
CTATTATCACCCCGTTCTTTTCGATTTCTCAATTTTAGTCTTCAGAAACCGAATTTTGGTATCCCGCTAAGTGA  
TTTCTTGACAGCATTGCACTTTTTGGTGCTCTGCTTTTCTTCTAGGGATGAAGAGCACAAACAGTCCAAAGA  
AGCCCTTGAAAAAGAAGACACAAAAAGCAAAAGCACATTAGATTTGTCAAAGAAGCAACGATTGGCGATTGG

ATTAATTTGCTCTGTCATTCAGTTCTTAGGTTTACACACATTTTCACCATTGATGCAGACAAGTTTTTTGTACTTC  
TTTTGTAGTTGGCTGTTTTGTTTTCTTGATATCTTCACTTCGTTGTTGAATGAGTAGTTATTCTCAATTTGAGC  
TGCGGCATTCCGGTCTTTGTACTTCTCCACTTGTGCTCTCTAGAGAAAAAGAATCTAACTTACATTTTGAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3184 BT021996|Arabidopsis thaliana At3g27230 gene, complete cds

TCATAACCTCTACTCTGAATATTGATGCTCCATTCACTGAATTCATTGCTGCAAGAGGATTGTTTCCTCTCTTCTT  
GAGTTTAGATCATAGATTCCCTTTCTATGACAATGTTTTTGATTTGGTTTCATGCTTCAAATGGATTGGATATTGG  
TGGAAAGCCTGAAACTAGAGTTCCTTATGTTTCGATATCGATCGGATCTTAAGAGCAGGTGGATTGCTGTGGC  
TGGATAACTTCTATTGTGCTAATGATGAGAAGAAAAAGCTTTAACTCGCTTGATTGAGCGATTGGATTCAA  
AAAAGTGAAGTGGGTCATTGGAGAGAAATCTGAATCAGGCAAATCAGAGGTTTATCTGTCTGCTGTTTTACAG  
AAGCCTGTAAGAGTATGATGACGATAGCTAATCTTCAACAGAAAAGGAAAAAAGGTAAGAGAGAATCAATT  
TTTTCTCAATCCTTGATATAAAAAATATTGAGTGAGTTATGCTAATAGCATTATTTCAAAAGTAAAATAATGAAT  
AGCATAAGTTGTTTATTCTGCTTACTATGATAATAGTTATGAAGAAGAATATAGCATTAGATCAGTCACTTAGA  
TGTTGTTCTGTTCTTCAATCTGTTAGTCTGTTGTCAAGGAAATTGTTGCCTCTATTTTTGTTTTCAGGAAATGAA  
TCATTTGGAATGGAAATTGATGACACTCTTACTGTTAGTCTTTTTAATCCATTGTTATTTAAGTTTGGAAATATT  
ATGCTAGATATTGATCAATTTTAACATGGCATCAAACCAAATGCTTCGTAGAAATTGATTAGAATAAACTTA  
GCTTTCTTCCGAATAATCATGGGTTGGTCTTGTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3185 AY899280|Capsicum annuum Sgt1b mRNA, complete cds

ATTGCTCTTAATAGCCTTTTATCATTTATCACGACTTCAAGTCAATCAAATTCTTCAAAAAAGGAGCCTGCTCG  
ATCTTTCTCCTTCCCCTCCCTCCAGAACCTTCCGACGCCTCAACTCTCTTCCATGGCGTCCGATCTCGAAGCCA  
AGGCCAAGGAAGCCTTTATCGACGACCACTTCGAACTTCCGTCGACCTCTACACTCAGGCTATTGCTCTTAGT  
CCCAAGAAATCCGAGCTTTATGTTGACCGCGCTCAGGCCAACATCAAATCGGCCATTACACTGAGGCTGTTG  
CTGATGCCAACAAAGCAATTGAACTTGACCCTTCAAATCAAAGCATACTTGCGTAAAGGCACTGCGTGTCT  
GAAGCTTGAGGAGTATCAAACAGCAAAGTTGCTTTGGAGACGGGCTCTGCTTTAGCCTCAGGAGATTCAAG  
ATTCACGAATTTAATAAAAGAATGTGAAAACTCATTGCTGAGGAAATGGGCGATCTTACACAGGAATCTGTG  
GAAAAAATGTTTCAGGAACTGTTAAATCAAGTGCTGACATCGTACCCGTGAGTGATCAACTTCATCATGCGA  
CAATAGAAGTCAAACCAAATTCAGGCACGAATATTATCAGAAACCAGAAGAAGTAGTTGTGACCATATTTGC  
TAAGGGAATACCAGCTGAAATGTTGCTGTTGAGTTTGGTGAACAAATTCTAAGTGTTACTATTGATCTTCCTG  
GTGAAGATGCATATCGTTTTCAGCCTCGTTTATTTGGGAAGATAATACGCGAGAAGTGCAAATTTTTTGTGTTG  
TCAACTAAATTGAAATTCGTCTTGTGAAAGCTGAGCAAATACACTGGACGTCTCTGGAATTCTCCAAGGA

>trans\_c\_3186 XM\_002320465|Populus trichocarpa formate dehydrogenase (FDH1), mRNA

TCCATCATCATCATCATCATCATCATCACCTCCTTCATCGTTCACGAGTCTCTCATTTACGCACAAAACCTTC  
TCAGAGATTCAACAAACGTCGATCATGGCGATGAAGCAGGCTGCTACAACAGCGATTTCGAGCTCTTCTTCGT  
CTCTAATCTCTCACTCATCACCTCTCGTCAGGCAGCTTCATGCTTCTGCAGAGAGCAAGAAGATCGTCGGTGTG  
TTTTACAAGGCTAATGAGTATGCTGCTATGAACCCTAATTTGTGGGATGTGTGGAGGGAGCCTTGGGCATAC  
GTGAATGGTTGGAGTCCAAGGGCATGAGTATATAGTCACAGATGACAAGGAAGGACTTGATTCTGAACTTG  
AAAAGCACATTCCAGATCTCCATGTTCTCATAACAACCCCTTCCATCCTGCCTACGTAAGTCTGAAAGGATC  
AAAAGGCCAAGAACTTGAGTTGCTTCTCACGGCAGGAATTGGATCCGATCATGTTGACCTCAATGCTGCTG  
CTGCTGCTGGACTAACGGTTGCAGAGGTTACCGGAAGCAATGTGGTTTCAGTGGCGGAGGATGAACTAATGA  
GAATTCTATTCTTGTGAGGAATTTCTACCAGGATACCACCAGGTTGGTAATGGTGAATGGAATGTTGCTGG  
AATAGCTCACAGAGCTTATGATCTCGAGGGCAAGACTATTGGAACAGTAGGGGCTGGACGAATTGGCAAAT

CTTACTTCAAAGGCTGAAACCTTTCAATTGCAATCTCCTATACCACGACCGACTCAAGATCGATCCTGAACTAG  
AGAAGCAGATTGGAGCACAGTTTGAGGAGGATCTGGACGCAATGCTACCAAACGTGTTACATGAACAGTAGT  
GTG

>trans\_c\_3187 Novel Gene

ACCGAATCAAAACCTCAGAAGAAAATGACGACGCAACTTGC GACTCGCACAGCCGACGCGGAGATCTACAAC  
GGCGACGCTATCTGCAAGCAAAAGTCTCAAGAACTTCTTGATCAATTCTTCCTCCCCGCGCCTTCTCCCTTTA  
GACGACATCCTTGAGGTCGGCTACAATCGAACCTCCGGTTTCATTTGGCTCAAGCAGCAGAAGAAAAAAGAG  
CACCGGTTCCCCGCCATTGGACGCACTGTCTGTACGACACTGAGGTTACTGCCTTCATCGAGGAGCGCCGCT  
TCCGCCGTCTCACTGGAGTTAAGAGCAAGGAGTTTTTCTTTTGGATTACCGTTTCTGATATTTATATTGACGAA  
CAGAACACGAGTAAGATCACCTTCGGTACTTCGACTGGAATTGCCAAGTCCTTCCCGGTCTCTGCGTTTCTGAT  
TGAAGAAGAACTGATCGGAAGAAGTGATTGAACAAAAGGATCGGTGAGTTCCTCGTAATTCTGAGTCAATT  
CGGGTATGGATACATTCAACATGAATAATTTGATGATGTATGATGAATAGAGAATAAACTGACTTAAACTAG  
GGCATAATTATCCTGCTTATTGTAGTTCAAACAATCTGAATTCGGTTGGAGGAAAATGAAATTACAGATGTCTT  
CGTTATAGAAGTAGAAATACTCTCCGACTTTGGGTCTGAATTAATCTCAATTGTAACTCCATGTACTTTGTT  
GTGAAATATACCATTGTTAATCGATTACCTAATCGAACCGATCATCAAATTGATTATCGTGCAGAATTGGTAG  
AGATACGGAAATTTTATAATTTTGAAATAATCTTGTGAATGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3188 AY093751|Arabidopsis thaliana AT3g17930/MEB5\_15 mRNA, complete cds

ACTCCACAAGCTAAGGTTGAGCTATGAACCAATCATCCGTTGCATCTTCTTAATAATTTTCATCCCTTCCACCTT  
CGAATCTTCACATTCTTCCTCTTCTTCTCCTGCAGTTGGATTGACCAATTTCTGCAACCACTCTTCCTCTG  
ATACGTGACAAGCGTTCCGGAATGGCTGTTTTTACTCATGGATGCTCCAATTTCAGAATTTTCTCTGAAAGGGA  
AGGGACCTTGTTTTAGGTATTTTCGGCAGCTCCAGTTTGGCACAGAGTGCGAGAGTTTACGGACAGTTTGCG  
AGAGAGAGAGGAACTAGTCGACGGTTGTCAAAAAAGGAACAACCTGATTTCCCAAGGAAAGGATTTTTTGGC  
ACAAGGAAAGTTGTCCTTACAGTCCCTAAGGACAGTAGCTCTTCAAACACAAGCAGCAGCAATGAAGACCCTA  
CAAATCAATCCGAGCAAACACCTTTTGTTACACGAGGAAGGATGTTTTATTAATTGGTTTAGGTGTCACAGTT  
CTTGATTGATTGAAAAGTGGATTAGAGTATGCTGGGTATGATTCTATGCAAGCAGGTAACGTCGTTTCAGC  
TTGTTCTGGTTTTGGGTTTAACGCTAGGATGGATTTCACGTACATGTTTCAGAGTTTCAAGCAAGGACATGACA  
TATGCTCAACAACCTACGTGACTATGAAGACAAAGTCATGCAGAAACGCCTTGAAAGCCTTACAGAAGCAGAG  
CTCGTAGCATTACTCGAACAAGTCGAGGAAGAGAAGAGCCAATCAGCAAGCAGCGAGCAGGTTAATTGAAGT  
CATTTCTATACCTGTTTATTTGAAATTATCGAACTAGAAATTGAGAAGCAAGGTGTTGTGCATAGTATTCTAT

>trans\_c\_3189 AY070768|Arabidopsis thaliana At1g56200/F14G9\_26 mRNA, complete cds

AGGAGCTTCACCGCCACATCTCTCTCCATAGCGAGACCTCCGGAATCTCTCCTCTTTTCTCTTAAGGAAGCTT  
TCCAGCATTACCCTTTTGC GCTACTTTGTAGAGACGAAGCGCGTTTCATCCTCGGCTTTCTCGTATCTCAAAGG  
TTATCATCTACCCTTGTAGATGGAGATGCTTACTACAAATTCTGCTGTGATGCTACCTCTTTTACCCCCAGATCC  
TTCTTCATCTCTGAAGCTTCTTGTCCAACGCTTCAAACCTGTTCTCATGCTTCTTTTCCATTTTCTTTGGTTTCCC  
CAGTGGGTCAGCATTGGGGAAGAATGAAGGCCAAAGACTTACCTCTTAGGCGGTATAGTTCCCAGCATCAAA  
CTCCTAATGGGAGGAGACAATCATTGTTTGCTAAAGCAGGACCGGTATTTCTCAAACCAATTCCATCTACTGG  
GACGAAGGGAGGCATTCTATGTTCAAGTAGAAAGAACAGTACTTTTCAATTTGTTTGGCTGCTTTGAATGCTCGA  
TGTGCAGCGGAGCAGACCCAGACAGTTACAAGAGAGGCTCCTACAATCACTGTTCTTCCCGGCAAGGAGAAG  
TCACCGCAATTGGATGATGGCGATTCTGGATTTCCACCTCGAGATGATGGTGATGGTGCGGCGGCGGCGGCGC  
GGCGGCGGAGGCAACTGGTCTGGTGGGTTCTTCTTCTTTGGTTTCCTTGCTTTCTTAGGCTTTCTAAAAGATAA

AGAAAGTGAAGGGCCATATCAGGATGATCGGAGAAGATAAATATACTTCGATTAAACATATGTAGATTCTAG  
ATTTATACTTCAATATACAATCTCATGATAAACGTTTGTCTAGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3190 AB238208|Brassica rapa BrAO1 mRNA for aldehyde oxidase, complete cds

TCAACCCAGACAGATAACTGAACACCCACATCTGAGCCCATCCCAAATGGAGGACAATATTTCTACTTCCTC  
TCATAGCTTCCCCAAAAATGTGGGGTTCAAGAGTCCGACAAGCATTGAGACTGCCGTTCTGCTTTAGCGCTCTA  
TTTGAACCTTTCATTTCTTATCAGGCTGCCATAAGATACGCCACCGTTACTTCCTTTCCCGGGCAAGAAACGTCA  
TCGTTCATAAGTCTACAGTCCCGATTGAAATAATAGTAGCTGGATGGGTTGGTTAAAGAACAAAAGCCATAA  
TCCTCTACCCACCCGACAGTTGTTTTGCTCTGTCGATTTCACTTGCACTGCAGCTGTATGCACGTAAGGGAAA  
CCTGCAGGTACAAGTTGATGAGGATTACCAGAAGACTGTGCAGCTGCAAACTGAGCAGGATGGAGAATGGCT  
TGTGTGGGTAAACCACCACCGCCACCGCTTTCATATTGTTAGCCGCCGAGCAGCAGCAGCAACAGCCTTTG  
CAGGATCAGTAGTGCTGCTGCCTCCGAGTGTAACAGGGTGGCATAGGGATAGCATTCCATTGGAGGACGTTT  
CTCCTGAGCCCTGTGGTTGTGATTGCTGCTCAGGACGACGCCTAGGAAGATAAAAACCACTCGAAGGTGAAA  
CAGTTGCACTACTACTAGAAGAATGGGAACTTGCTGCATATAAGGGAAGAGTAACTGTGCTTGCTGCAATGT  
CTGCTTCGCCAAATGTTGTTGCTGTTGTTGCTGCTGCGACTGTTGGGATAATTTATTTCCAGAACTTGAAGAGG  
TCATTTGATTATTGCCAAGAATCGACGTAACGTTCTCCCAACAGGAGATGACTTCTGCTGGGGCATAGAT  
G

>trans\_c\_3191 Novel Gene

AAAGCGAAAAATAAACGAGAGTTCATATGTAATGTAGAGATTCTCATGGAGGAGAGTTAGATTTCGTTTTTTT  
TTCTTTTTCTTTTTCTATTTAGTAAAGAATCTGTGTAATGTAATCAATGGAGTCTCCCCCTAACTCTGTTCT  
TCCTTTACATTTCTTATCTCATTCTCTCCTCTCCCTTCTCTCTCTCTCTTTCATCTGCTTCAACCTCCAATTATG  
GCACCCACAAAGTCTCCCTCAAACCTATTATGAGTCGCTTTGCTCTTACAGCGCCAATTTTCATCGTCAACTATC  
TGGTTAAGCTTTTTGATGACGATCTCATCTCCATAGTTGATCTCAGCCTCGTTCTTATGGCAACGCAAGGGTT  
GGCCGCAATGATTCCATCACTTGTGAGCATGGCCCTAATGAATGCCTATTGAACACTGTGGAAGCCTGTGCCA  
TTAACGCCTGGCCTGAGCTGGATGGACATTTTCTTTTCATCTATTGTGTCGAGTATCTGGTGTACAAACGGAAG  
TACACCCAGTGGGAGTCATGTTTTGAGAAGTTGGGGTTGAATCCCAAGCCCATCAGTGATTGCTACAAAACCG  
AGCTCGGGAAAAAGCTTGAACCTGGAATATGCAGCTGAGACCGATAACCTTCAGCCTCCTCACAAATACGTGCC  
TTGGGTTGTTGTAGATGGGCAGCCACTATATGAGGATTATGAAAACCTCATAAATTACATATGTGAGGCGTAT  
AAAGGACCTGTTGAGCCCACTGCTTGTAAGCTTCATCCATTAGTGTCATTTGAAGATAAGAAGCATAGTTTA  
GCCTCCAGATAACACCAAGATGACTGATAAAGTTTGTTGATTTAATCCGCAAGAAAGCGGTGGA

>trans\_c\_3192 XM\_002876350|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata eukaryotic rpb5 RNA polymerase  
subunit family protein, mRNA

ATTTCTAAAGCAAGAAAAAAGAAGGAGACGCTGTACGCTCTATTATAGGAGAGAGGGAGCGAAAAATGGAG  
GAAGATGGGTTTGAAGCAGAGCCGAATCCTGTGGAGTTCGGCACTTGCTTGAGTTCTACATCGATGATGGA  
ACCACTGAGAGCCACAGATACTTCTTTCTCGAAGAACAGTTGTGGAGATGCTTAAGGACCGAGGTTACACTA  
TCAACTCCCCGATATCGACCTCTCTCTTCAACAATTCCGAGATATTTTGGCCAATACCCCGACGTTGATCGCC  
TAAACTATACGCCGCTCATCACTCCGATCCCTCCAAAAGAGTTCTTGAGTATTCTGTGGAAGTGGTGCAGTA  
AAAGTTAATGCTATTTCGCAATATTGCTGGCCAAATTGCTAATAAGGACAGTTTGCATGGTCTTATTTTAATTGT  
GCAAAATCAAATTACAAACCAAGCCATGAAAGCAGTTGAGCTTTTCTCGTTAAGGTTGAAATATTCAGATTA  
CTGACTTGCTCGTCAACATCACAAAGCATGCTTTAAAGCCGAACCATCAAGTACTAACGGAGGAAGAAAAACA  
AAAGCTTTTGAAACAATACAGTATAGAGGAAAAACAGCTTCCTCGTATGTTACGTACGGATGCTATCGCTCGA  
TATTATGGACTGGAGAAAGGGCAAGTTGTGAAAGTGACTTACGATGGTGATATGACCAGTGCACACGTAAC



TACCGTTGTGTTTGGTGATGGACCTATAGACACAGGTTTCACCAATCAACTTTTCAATTTCTTCCCCAGAAAAC  
TCAGATTAGTTTTTGTCTTAACTTCTATGTTCCAGAACTTCTTGTATTTAAATAGGGTTTCGAGTGCAGATT

>trans\_c\_3193 NM\_125378|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S15A (RPS15aF)  
(AT5G59850) mRNA, complete cds

GAAGCCGACGCCTCCATCTTCCATTGAGAAATCATTGGAAGTTTTAATTTGGAAGAATGGTGAGAGTTAGTGT  
TTTGAACGATGCTCTTAAGAGCATGTACAATGCAGAGAAGAGGGGCAAACGACAGGTCATGATCAGGCCCTC  
TTCTAAAGTCATCATCAAGTTTCTTCTGGTTATGCAGAAGCACGGTTATATTGGTGAATTTGAGTTTGTGATG  
ATCATAGATCTGAAAAAATTGTTGTTGAACTCAACGGCAGGCTGAACAAATGTGGGGTTATTAGTCCTCGTTT  
TGATGTGGGTGTTAAGGAAATTGAAGGTTGGACTGCTAGGTTGCTCCCTTCCAGACAGTTTGGATTTATTGTG  
CTGACAACATCTGCTGGAATTATGGATCATGAAGAAGCAAGAAGGAAGAATGTTGGAGGCAAAGTTCTTGGT  
TTCTTCTACTGAATATGGTTTTGAGCATCCATTATGGAGTTTTGACATAGCTTTCAAATAGTACTACATTTTCTG  
TCGGTAAAGAAAGATCCTTATCCTGTATTGATGATTAGATTTTGTGTTGCCAGTTTCTCATTCTTAAGTTAATT  
CCAAGGAAATTTTTATTGTTTTCTGTAAGACGTTTTGGTTCTTTAATTATAATGGAAGAGAACTAGTGCTTTCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCTGTTTTCTGTCACTTGAGTTTTCAAGTTCAATAATAGTTATCTTAG  
AGGGACCCGGAGCCAGCCCTTTTAAAGCTGTAAGTCTCAATTTCTAGAAATGTTATAATCGGAGTCTTGACTTT  
GCATTGTTTCAGAAATTAGACCCTCATGGATAATAATTGAGCCCTAAAGCTTAAACCAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3194 EU280160|Vitis vinifera cysteine protease (CysP) mRNA, complete cds

ATAGTTCTTCTTCTCTCCATTTTTCTCACCATCGATTCTTAGCGGTGAAAATGGTAAAGTGTATCTCTCATCG  
TCGCTCTCTCCCTCCTCGCAGCATCGGCGATCGGCAAAGAGGTCATTTCCGGAGAATCGGATGGAGATTTTAT  
AATCCGTCAGGTTGTGGATGACGGAGGAGTCAACGGAGCAAGTAACGGCGACGATCTGCTACTCGGAGCCG  
AGCATCACTTTTCGGTCTTTAAGCAAAAGTTTGGGAAGTCGTACGCTTCCAAGGAGGAGCATGATCACCGGTT  
CAGGGTATTCAAAGCCAATCTGAAGCGAGCTCAACGCCACCAGGCTCTTGATCCCTCTGCTACTCATGGCGTC  
ACTCAGTTCTCTGATTTGACTCCTTCGGAGTTCGGGAGATCGTTTCTAGGGCTTAGAAGTCGTCGTTGGACT  
CCCTGAAGATGCTAATAAGGCCCTATTCTTCTCTACTGATGGTCTTCCGGCTGATTTGATTGGAGAGATAAAG  
GTGCTGTCACGGAAGTCAAGAATCAGGGTTCGTGCGGATCCTGCTGGAGTTTCAGTGCAACAGGTGCTCTTG  
AAGGCGCCAACCTCCTTGCTACCGGAAAACCTGTTAGCCTTAGCGAACAACAGCTTGTAGATTGTGATCACGA  
GTGTGATCCAGAAGAAAAAGGTTCTGTGATTCTGGCTGCAATGGAGGGCTAATGAATAGTGCAATTTGAGTA  
CACATTGAAATCCGGTGGACTTATGAAAGAGCAAGACTATCCATACACCGGTACAGATCGAGGAACCTGCAA  
ATTTGACAAGAGCAAAATTGCTGCATCAGTGGCCAACCTTAGTGTTGTCTCCCTTGATGAAGAACAATTGCAC  
GGT

>trans\_c\_3195 Novel Gene

ACTCCACCAACAACCTCCATCTCTCCATCTCCCTCGTAATAAGGGTCGTCGTCATCGTATTTCTCCCCTCTTGA  
TCTTGATAGCCCCAACGACCAACAACACGAACACGAACACGAACACGCCCTCTCCATTAAGTCCAAC  
CCAAGAACAACACCGCCTCCTCCTCCTCCGTTAAAAAATTGCAGAGATTGACATCCAGAAGGGCAAAAATGGC  
AGTTCGTTCTTCAAACCTCAGATTGAGCACCATCTATGAAGGCACCGATCTGTAGTCGTAGGGAATAGGGATT  
ACTTCATCCACCGGTTTGACGAGGACGGTTTCGGTAGGAGGGGTTAAATTATCTTAACCTCTCCAGTTCAA  
TTCATGATCCATCTGATTCCAACCTCCATTGATGACATTGGTAACTGCTTTGTGCGTTCCGATACACACATAAC  
ATAAGTAGGGGCGCCGATCTATTTAGGGTTCGAGGCACGTCCGTTCTACATTTGTATATTAAGTGTATATCA  
TATACATCCATCAAATAACATACATGGAATGAACGGTTGAAGTTCTAGTCATGCCATTAAATTCAAAATACAAT  
GTGAATGTGGCGAAGAATAATTCAGAAATTTGAAGTGGCGCAGCCAAAACCGACGGACCCGAAGACCATGGC  
ATCTGCCACTTTGTTTACCAGAACATACAATATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGTTCCGTTTGGTTCAACTCGTTT

CCAATTCCTAGTTGCATCTGTGTAATTTTCAGATAATTACTACAAAATATTTATTTATTTATTATTTTAAATTAAC  
ACGGAAATGCAAATAATTAACTACTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3196 AY197496|Gossypium hirsutum ADP-ribosylation factor 1 (ARF1) mRNA, complete  
cds

ACCGTCTCTCCTTTCTGTCTGTCGTTGATCCTCGGTGGTGCTTGTTGAAGGCTGTGACAGAGAATGGGGCTTA  
CGTTCACAAAGCTTTTCAGTCGGCTTTTGCCAAGAAGGAAATGCGAATTCTGATGGTTGGTCTTGATGCGGC  
TGGAAGACAACATCCTCTACAAGCTCAAGCTTGGTGAGATCGTCACAACAATCCCCACCATTGGGTTTAATG  
TTGAAACTGTAGAGTACAAAACATCAGCTTCACAGTTTGGGATGTTGGGGGTCAAGACAAGATTCGTCCCTT  
GTGGAGGCACTACTCCAGAACACACAGGGTCTCATATTTGTTGTTGATAGCAATGACAGAGATCGAGTTGTT  
GAGGCCAGGGATGAGTTGCACAGGATGTTGAATGAGGATGAGCTGCGAGATGCAGTTCTGCTTGTTTGCT  
AACAAACAAGATCTTCCTAATGCAATGAATGCTGCTGAGATCACCGACAAGCTTGGTCTCCACTCTCTCCGCCA  
GCGTCACTGGTACATCCAGAGCACTTGCGCCACCTCCGGAGAGGGTCTTTATGAGGGGTGGATTGGCTCTCC  
AACAAACATTGCTAACAAAGGCATAAGGATATCGAACAGTTTGCTTCTGAGACTCGCAGTTCTGGATGCAGGGTG  
AATATTATCTAATTTTTCTGTGGGGCACTTTATAAAAGAGGTTATGGTTTTCTTTTTTTTTCTTTTCT  
TTTTCTGTTTACGGGAGCTTTTAGCAAAAATTTGTCAATTGTACTGTAATATCAGAATGGTTAGCCTTGTTA  
TCGTGTTTTGGGCTCTTTACGGGGCTTTACTCGCTGTTCTTTCTTCGGTTCTAGCTCAAACCTAG

>trans\_c\_3197 Novel Gene

ATTCCCTTTCTTCTTCTACGGTTAGGGTTTCTAATCCCCTTTCTTTTCTTTCCAATTTTTGCATCTTTTTTTTT  
TTTCTTGCTTTCTTAATTTATTCCTTTTTCTTTTTCTTTTTTAATTTCTCCTTTGAATTAACACATGGGTTTTG  
CTTGACGCCAATTCCATCTTGAAGATCGGTCAAAAACCTTGTTTTAAGGGTTAAAGGGGAGATTGATAAG  
ATGGAACATGACGAGGCAAGCTGTCAAGCTCCCCCTGAGGGTCCCTTTCTATGCATCAACAAGTGGCTTCTT  
CGGAAGTGCAGCTACTACGAATATGTGTTCTAAGTGCCACAAGGACTTGATGTTGAAACAAGAACAGGCTAA  
ACTCAGTGCTTCGACCTTTGGAAGTATCATGAATGGATCATCTAGTTCTAACCAAAATGAAACCTTTGCCACCG  
CAAGTGTGGATGATCCAGTTAGCTTGGTGGAGCCTAAAATCACGTCAATGCAGGCATCCCCCGTGTTATTTCT  
TGATGAGAACAGTGGAGCGAAGCCAAAGGACAGGCCTAGACGTTGCAATAGTTGCAACAAGCGAGTTGGAT  
TAATGGGATTTGACTGTCGTTGTGGTAACATCTTCTGCGCCATTCATCGTTACTCTGACAAACACAATTGCCCT  
TTGATTACCGCACTTCTGCACAGGATGCAATTGCTAAAGCCAACCCGATTGTGAAGGCAGAGAAGCTTGATAA  
GATCTAAGTGAAAATCAGGCCAAAGGCGGGCTGGACCCCTATAATGTGTTGATCTTTGTCGTCGTCATCGCC  
TAGATGATTTCTGCTTTGCTGCATGCATATCTTGTAACCTGTTGTGTATTGNTATATTTGGAGG

>trans\_c\_3198 BT005846|Arabidopsis thaliana At2g03350 gene, complete cds

AGAACATAGAAGCGCCACAATTCCACATTTTGACAGTGGCGTCTTTGTCTTCTCCAAGTTGCTTCGGATTTAT  
ATGGGTGTGGCTCTCGTTTTCTCCATTACTCCATTTCCACATTTTCTTCTTTCGCCCGACCTCTAGACGAAGT  
TTAACGCCGTTCAATCTTCAAAAATGGAGAAGGCTTTGACTAAAGTGGGCAGCTTAAAGTTGGGAGCTTGT  
GGATTTCAAAGAAAGCCAAGGAGGAACCTCGCTAACATCACTGATGATTTCAATACTTTCTCAAATACTGTTGA  
AGAGAAGGCCAAAGTGGATTTTCAACAAGCTAAAAGGAAAACCATTTGAAGAGCTTGCCGGATTTACTTCGCGA  
GTACAACTTACGCCCGGCCTTTTCTCAGAACATGACCTGCTACGAATTTGATGAATCAAAGTCCAAGCTGA  
TTGTATACTTACCATCCGCTTGTGAGATTAGTTTCAAGGATTCCTCTGTAGTCAGATATGCAACACGGGTGAAA  
GGAACCTTTCAGAGAGGAAAGCTTACAAACATCGAAGGAATGAAGACAAAAGTCCTAGTGTGGGTGAAGGT  
GACAAGTGTGTCAGTTGAGGGCTACAAATCTGATAAGGTCTGGTTCACAGCAGGAGTGAAGAAATCGAGATC  
AAAAGATGCATATGAAAAGCCCCATGACGCCATTAGGGTAGGCGAATTCTAATATTCAAATATGGCACATTG  
TTAGATAACATTAAGGAAGCAGGTAAATGAATCCTGTAATCACATCAGCTGCATTGTTCCATTTGCATTGTCGA

AATATAGAAATCTGAATGTGTTGTCCCCTTTATAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_3199 BT002661|Arabidopsis thaliana At3g07470/F21O3\_18 gene, complete cds

TCTCCTCCTCCTCCATCTTCTTCTTCTTCACTCCTACTCTCGAATCTCCTTTCTAATTCTAAAACCCTACTTCTT  
CCATTTCTCTTTCTTTTTCATCTCTCCACAGCTATGTTTCCCCCTTCTTCCATGCCCTTCTCTGGTTCTCTTTCCTA  
TATTTCACTTCTTCATTGGCGGATCCTCATTCTCTTAACACTTCTACTCACCTTCCAACCTCATTACGATGTTCT  
CTTGGCTCATGGCCTCCCTAAAGGCTTACTCCCAAAGGGTGTGAGGGATTACGAATTCGATGTGCGATACTGGA  
AGATTTCTCGTCTTTTGGATCGGGAATGTAATGCGATGTTGAGAATCAACTGCATTATGAGACTAATGTTTC  
TGGGACTTTGAGTTATGGTAAGATCGGTGCCTTATCTGGGATTTGAGCGCAGGATCTCTTCTGTGGTTTCCTG  
TTAAAGGGATTCTGTTGACGTTCTAGCTCTGGCGTTATTTATTTGATGTTGGTGTGTTTTCAAGCAATTCT  
CTCAGTCTCTCTTCGAAACCCACCTGTTTGTGTCCCTAATACCAAGAGTCAACACAGGAAGATTGGGAATGG  
GAATCAATTTGTGAAAATGGCTTGAAATAGCCATTGAAACAATAGGTGGGGAAAAAAGAAAAAGAAAAA  
AAGGCTCAAAGGGGGAGGAATCTCTATTGGGTGGTAATGAATCTTCATTGTATATGTCATCAAAGCATATATT  
ATTTAGCATCTGCTATATGGTTCTTTACACTATGTGTGCTTGAAATTTCTTATCATCATCAATGGGAGCAGAGTC  
AGAATCTGGGAATTTGTTGAGCGACTTCTGGGTTTGTGTGAGGAAAAGAATATGAANGG

>trans\_c\_3200 NM\_120425|Arabidopsis thaliana CDC25; arsenate reductase/ protein tyrosine  
phosphatase (CDC25) mRNA, complete cds

ACATAGTAATTAATCTAATCCATTGAAGGATTACAAAGTCAAATTCGGGCCGTGAGTTCATTTTGAGCTTCACA  
TACCATCCATCAAAGGACTTTCAATCCGATTGATCAGCAGCAAAAGATCATTCAATCTCCATTCGTCGGCCAGA  
GAAAGACGAAGAAGAAGGAATCAATACCAATATGTCTCGAAACATTTTCATACATAACTGGCACTCAGCTTCTC  
TCCTTCAAACGCCGCCAAATGTCGCCATCATCGACGTTAGGGACGACGAGAGGAGTTACGATGGCCATATT  
GCTGGATCTCCGCACTTCGCTAGTGACAGTTTCTCTGATAAGACCTCTAAGCTTGTCCAAGAAGTGAAAGGGA  
AGGATACGCTTGTTTTCACTGCGCTCTTAGCCAGGTTCTGGGCCAAGTTGCGCAAGGAAGCTTGCCAACTA  
TCTGGAGGGGATTAAGGAGGATGGTGGAATAAAAAACATATGTGTTCTTGAACGCGGCTTCAACGGATGGG  
AAGCATCTGGCCAACCCATTTGTCGCTGCAACAACGTGCCTTGCAAGGAGGGGATGTAGGATTACAGAAAATTC  
ATCAAACATCACCATAGTTTTGAAGAAGATTAAGGAGGGGATATGGTATGATATTGTTAAAAGAATTTTATTT  
CATAAATATGTGGAATGCTAAAGTTGCATTGTATATGTATCCACTTCTGATCAACATGGCTATTATTGTTATTAA  
GTTGGTGAACCCAGGGATTCTGTTTCTGCCAAGTCAGATAAGATATCCCAGGATCCTTTTGCTACCATGTTAGG  
ATACTTCTAACAAGAATTGATATATGAATTAATGAAAGAAGTATCCTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_3201 AM231406|Solanum tuberosum mRNA for exp1 protein (exp1 gene)

GGCCTCCGGAAAGCCTTCCAATTATGGCGACGGTGAGAGTCTTCGTAACAATGCCGATGAAGCTTCTGCTGCT  
GTTGCTAATGGTTCTGATACTTGTTGTTCACTCTGAAGCTGCAAATACGAACAATGTATACCAACCTTGTCGG  
ACACTAAGATTACAGAGATCCGATGGATTACCTTCGGAATCGCATTCTTCCAGAGACTCTTTCTTCTCTAACC  
AGTCTCATCAGCTCTCCCCGTGTGACCGTCGTCTTCTCTTGCCTCGCTTAACCTCACAGCTGGCAGTTTTAGAC  
CTAGAGTAGACCAGATCTCACTTCTCCATCAATACTTCGATTTCTTCCGGATGCTTTTGATGGTTACATGG  
TGGCTTTTGCCGGAAGAAAATACGCTGCAAGGTCTCAGCCTGCATTCTGTCGCTAATAACACATTCATAGTGAC  
GAGTTTCACCTGGTACTCGAGTTTCAAAGGGCAGGCTGCAGAACTTGTACTGGAAACGAGATGGATGTGC  
TTCATGCTCAGGTAAGTCGAGATCTAGTTATGTCTGCCTAATAATCAGGATTGTGCCATTAGAACATCGAGTT  
GTAGAAACCGAGGGGGCAATGTGGATTGTAGTCTGGGAATACAGCTTACGTTTTTCAGGCACGGATAAGCATC  
TTGCAGCGCTGAACTCCTGGTATGAAGTAAAAAATCTTCGACAATATTCCCTATATAGTGTGTATTCAAATCTC

AGGGATTCTCTTACCAGCCAGTACAACAGGTTCTTCTAATTACTTATTCATCATACTCCCCCAAGGTCTGTTGT  
TTTATAACTTCTATACATTATACTGGTTATCATGGTCTCCCTTCTTGGCTTTGTTATACATCCCTTTT

>trans\_c\_3202 NM\_120131|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein / copper chaperone (CCH)-related (AT4G39700) mRNA, complete cds

AGCTCTGTTTCCTTTGATATAACCATCTCAAAACCAGAGCAAGAGAAAGAGAAAGCAGCCTTTGTTTCTAACGC  
CCTTTTCTTTGCTCGTTTGCTTGAAGAGAAGGTAAAGAGAAAGATCCATCATTTCTACCCAAAGTTACGTTGCC  
ATTTCTTTCTACAGCTCTGGTTTTTGCTCCTGTGAGCTTCTGTTGTACCTTTCCCTTTTCAACTACATCGATTAAA  
GAGTGAAAAATGGGTGTTGGTGGGACTTTGGAGTACTTGTGAGATTTGGTGGGTAATACCCACAAACACAAG  
AAGAAGAAACAGCTTCAGACTGTGGAGTTGAAAGTCAGAATGGACTGTGATGGCTGTGAAGTTAAGGTCAAG  
AATGCCCTCTCTTCACTCAGTGGGGTGAAATCTGTGGAGATAAACAGGAAGCAACAGAAAGTGACAGTTACA  
GGGTATGTTGAAGCAAGCAAGGTACTGAAGAAGGCAAAGTCTACAGGGAAAAAGGCTGAGATATGGCCATA  
TGTTCCCTACAGCTTAGTGTACAGCCTTACATTGCTCAGGCTTATGATAAGAAGGCACCACCAGGGTATGTAA  
GAAATGTGGAGCAAAGTCCCACTGCTTCTGTTACCAATATGAAGATCCTTACATCAACATGTTCAAGTAT  
GACAACCCAAATGCTTGCTCTATCATGTAATCTTTGCAGCCAAAACAAGTCTCCTGTTTTGTACCTCTCTCTAT  
ATCTCTCTTCTGCTAAATTTTGTCAAACAGCTCAATAATTATGGTAATGATATATATTACTGTGTGTTCAATCAT  
TTGTGAAGAAGAAAGGGTCAACTATATGGATGAGTAATTAGGATATTTGGGGTTGTTAGTTGTTAATAGC

>trans\_c\_3203 AF112863|Nicotiana tabacum syntaxin-related protein Nt-syr1 (Nt-Syr1) mRNA,  
complete cds

AAAGAATGAGCCCTGTTCACTGGCTTTTCGATGTCGTCAAGTTTCTCGCCTTGTTCTGTCACCAAACTGCCAT  
GTCCATGAAAACCTGGTGCAGCTCCTTGAGGTTCTTTCCAGGTCTTTCACAGCATCATGCCTCTCCTGGATCTC  
ACTAATGGTGTCTAAGATTCTGCCTCTGCCTTGTTCTTGAATGGCTTTCTGCAAGAATGTCTCACTTTACCTGT  
AGATATCAAGACATCAATGGTTTTCTCGTCCGGATTTTCACCAAGTAACAGTGTAAATATCTTCGCTGAACGGTCT  
CCCTGTACTCAGAGGAGATCTGTTGCCTAAGATTGTTAAACTCTCCATAGAATCCTGCAACTTCTTCTCAAAAC  
CGTTGACTACAGAAAGTCCGAGTCCGATCAGAAGAGGAACCAGGACCACAACCAGGGAGGCTCCGGTTGGCA  
GCATTGGAGCGATCAAGAGCCTCCAATCGGACCTTGATGAGTTTAGCCTTCTTAAGAGCAAGGGAAACATCA  
GAATCCATGCGAGATCGGAGGTCCTTGACAGTCTTAGCATTGTGAAGGGTCTTGCTCTGTTTCATGGGAGTCAT  
GAAGGTTGGAGTAAAGTCGTTCAAGCTCCTTGAGCTCGTCTTTAACAGACTCAACATCTTCAAAGAACTTGTCG  
AGATTAACAGCAGTGGGGGAAGAGGAGGCGTTGTTGCCATTTCAACGACATGGGTGTGCGGGGAAAAGGA  
GCGAGAGGAGAATAAATCGTTCATTGGTGAAAACCCAGAAGAGAAAATGGAGAATGGAGAATGGAGAAATG  
GGTTGGTTGAGAAACAGAGGAAATGAAGAACCTAGAAGAGGGATTTGATGGGTTTTATGAGAAAAGTGGTC  
AAAT

>trans\_c\_3204 Novel Gene

ATCTCATTAACCCACAAAACCAGAACTTCTGTCTTCTTCATTTGTTTCATTTTGTTCACTTTGATCCAAAAAGTA  
AATGAGTTCCAATGGGGTTTCTTCATCCATCTCCAAGAGATTGGCCGGAAAAGTGGCTTTGATAACCGGCGGA  
GCAAGTGGAATCGGTGAGTCGACGGTGAGGCTTTTCGTGGAGAATGGAGCCAAAGTGGTGGTTGCCGATGT  
CCAGGATGACCTTGGCGCTGTTCTCTGCAAAGAGCTTGACGACGGCACTGGGTATAACGTTTCCTATTTCCATT  
GTGATGTCACCGATGAATCTGATATCTCGAATGCAGTTGACTACGCTGTCGAAAAGTATGGAAAGCTCGACAT  
CATGTTCAACAATGCTGGCATTCTGTTGATGTAGGCGCCACGACGTTGACCACAGACATGAATGACTTCAAG  
AAAGTCTTTGATGTCAACGTGTTTCGGTAGTTTCATGGGAGCTAAACATGCCGCCAGAGTGATGGCTCCAGCGA  
AGACAGGGTGCAATCTTTTACGTCAAGCATGGCATCGGTGATATGTAGTGGTAACGCACCGGCATATGCAGC  
GTCGAAGCACGCAATCATAGGACTGATGAAGACGCTAGCTGTGGAATTGGGGCCAAAGGGGATTAGAGTGA

ACGCGATATCACCGTACGCGACAGTGACGCCGATGCTGGTACCGTCGAAGAACGTGGAGGAGAAGAAGGCA  
ATGGAGGCCTTCATTTCTGTTATCAGGGAAGTTGCAAGGGGCAGTAATGGAGGCTGAAGATGTAGCCAAAGCA  
GCTCTATATTTAGCAAGTGATGAAGTCCAAATATGTGAGTGGATTGAATTTGGTGGTTGATGGTGGCTTTAGT  
CTTACTA

>trans\_c\_3205 AY535423|Solanum lycopersicum WAK-like kinase mRNA, complete cds

TATACGAGTTTATTCCCAATGGAAGTCTCTCTCAACATCTTCAGAGAGAGCGTGGAAATGGACTCCCATGGAC  
AACACGGCTCACTATAGCAGCCGAACTTCTCGTGCAATAGCATACCTTCATTCTTCTGTGCACCCACCAATAC  
ATCAGAGACATCAAATCGAGCAATATACTTCTGGATCATGGTTTCAAATCAAAAGTTGCAGATTTTGGTCTT  
TCTAGACTTGGTATGACAGAAATATCTCACATCTCAACAGCTCCCCAAGGAACCCAGGCTACGTTGATCCACA  
ATACCATCAAAATTTTTATCTTTCTCACAAAAGTGACGTATATAGTTTTGGAGTAGTCCTAGTAGAGATAATAA  
CAGCATTGAAAGTGGTTGATTTCACTCGTCCCCAAAGTGAAGTAACTTAGCTGCACTTGCCATTGATAGGATT  
GGTAGAACTCTGTGGATGAACTAATCGATCCTTTCTCGAGCCACATAGAGATGCTTGGACCCTCTACTCTAT  
TCACAAGGTGGCTGAGCTTGCAATCAGATGCCTTGCTTTCCACAGCGACATGAGGCCTTCGATGACAGAAGTA  
GCAGAGGAATCGGAAAGCATCAGACGCAGTGGATGGACATCAATGGAGGAGCATTTTTGTGCAGCATCATCA  
GCAGGATCAGCTTGTTTCATCTCCTCGTAGTGTAAGCGAGAGATCCATAAGTAGTAGCATAACAATTAAGAAGA  
CCGGGCTGCTTGACAGGACTGGGGAGCCAGAGATTGATAATCCACCGGAGAACCAACCATAGTAAGGACTATC  
TACCTCCTGTTGAGGAGGTTATGGATAGTTCCCCAGTTTCAATACAGGATCCTTGGTTAAGTGAACATCTCGT

>trans\_c\_3206 FJ606761|Capsicum annuum xyloglucan-specific endoglucanase inhibitor protein  
mRNA, complete cds

TCATCTTCTCTGGTAACGGCCCGTACCATTTCTTACCCAACGTGCGACTTAACAAAATCCCTCACTTATACCCAC  
TCTTCATAAACCCCGTCAGCACCGCCGGCGTCTCCACCTCCGGGGAAAAATCATCGGAATATTTTCATCGGCGTT  
AAATCCATCGTATTCAACTCTAAAACCGTCCCACTCAACACCACTCTTCTCAAGATCGACAGAAACGGAAACGG  
CGGTACAAAATCAGCACCATCCATCCATACACCGTACTGGAATCATCGATTTACAACGCGTTGGTGAAAACA  
ATCAGGACGGAGCTCCGGAACATTCCGCGAGTGGCGGCGGTGGCACCGTTTGGGGTTTGTTATAAGTCAAAA  
AGCTTTGGAAGTACTCGATTGGGGCCGGGTATGCCGTGATCGATTTGATTTACAACAAGAAAGTGATTGG  
AGAATCTCCGGTGCGAACTCAATGGTACAGGTAAACGACGATGTATTGTGCTTGGGATTGTTGACGGTGGA  
GTTGAAGCGAGAACGGCGATTGTGATCGGAGCCCACCAGATGGAGGATAATTTGCTTGAATTTGATTTGGCA  
ACTTCTAGACTTGGATTTAGCTCAACTCTATTGGGACGGATGACTACTTGTGCTAATTTCAATTTTACTTCAGCT  
GCTTGATTAATTAATAAATCTTTTTAACTCAAGTTTTCTATCAAATCAAATAAATGTTTTTACCACTACTTGTGTTG  
AGGTTTTGTATTTTGAATTTTAATATTGAATAATTGAGGGTGAGGCTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3207 CT029770|Poplar cDNA sequences

AACAAACACAGGGTGAGGCCTAGCCTCTACCGCTTCTTAAATCTCCCTCCTCCCTCTCCCTCTCCCTCTCCCTTT  
CTCTTCTCCTCCTCTCCCCTCTTCTCTACTCACTTTCAGGTGGGTTTTCTTTTTCAATTTGAATTTATTTTTTT  
TCCCTTTTTGTTTTGGATCGATGGATTCTGTTGGGAAGAACGTCAATCGGATTAAGGGTCCCTGGAGTCCTGA  
GGAAGATGAATCGTTGAAGAGATTGGTTGAAAGCTACGGACCCAGGAATTGGTCCTTGATCAGAAAATCCAT  
TCCTGATCGTTCTGGAAAATCTTGACGTCTTCGATGGTGTAAATCAGCTTCTCCTCAGGTGGAACACCGTCCGT  
TACTGCGGAAGAGGATGACGCCATTATCAGGGCTCATGCCAAGTTTGGGAATAAGTGGGCCACCATTTGCTC  
GTCTTTTGAATGGCCGTACCGATAACGCCATTAAGAATCATTGGAATTGACGCTCAAGCGAAAATGCTCCGC  
CATGGGTGATGATTTTAACGATCCCGATTTGCATACCCTCCCAAAAGATCTGCCAGCGTCGGTCCCTCTCCAG  
TCACCGTCGCTTCCGGGTTTGGTTGAACCCGAGTAGTCCACCTGGTTCCGATTTGAGCGACTCCTCTCCTCCA

CCCCACCACAGCCCGTGTACAGACCTTTAGCTAGAAAGCAGCTCGATCGTTCCATCGAATCAGCAGCAGCAGC  
AGCAGCAGATTGTGAACCTACGATCCTCTACTTCACTCTGCCTCTCATTGCCAGGATCCAATTCAAATCCG  
GGTATGGGTCGGATTCAATCCCGAGCCCGACCAGGAACATGGTTCAGGCAACAACCTCTACCGCT

>trans\_c\_3208 AY568717|Lycopersicon esculentum adenyl-sulfate reductase mRNA, complete cds

CGGGTGGACTTTCCTCCAATCACAGCGCCCCACTTGGACAGCATCTCCAGCATTCCCCTCTTCCCTCAATTCCGT  
CCCCCTTCAATTCTCCATCGTTTTATTTAATCTTCATCTCCCTTCCCATTGTTTTGCCTCCGGACTTACAAACGAA  
CCGAGAACCAAACTGCAACTTTCTTTGTTTGTCTTTCATGGCGCTTCTGTTTCTTCTTCAATTTCTTCTT  
CTTCTAATTTTACCATTTTGCCGATTCTCCTCTGAGCCTAAAGTTCCGCGAATTGGTCTGTTTCAGCTGCTGC  
ATCGGCCACATGTTTTATCTTCTGGAGTAAATTATTCACAAATTAAAGGATGCTCGGTGGTGAAGCCTAAGAA  
CGCGCAATCCAAACGGAATGATTCGCTTGTGCCGTTCTGGCGAACACTCTTGCTGCTGAGGTGGCAGAGAA  
GACGGAGATTGTGGACTACGATGGATTAGCCAGAGACCTTGAAAATGCTTCCCCTCTGGAAATAATGGACCA  
AGCTCTTGAGAAATTTGGTGACGATATTGCGATTGCTTTCAGTGGTGCGGAAGATGTTGCATTGATTGAATAT  
GCTCGTTTGACTGGTCGACCATTAGAGTGTTTAGTCTAGACACAGGGAGGTTGAATTCAGAAACATACCAAT  
TCTTTGATGCAGTGGAGAAACATTATGGCATTATATAGAGTATATGTTCCCTGATGCTGTTGAAGTTCAGGGT  
TAGTAAGGAACAAAGGGCTGTTTTATTCTACGACGATGGCCACCAGGAGTGCTGCCGAGTAACGAAAGTG  
AGGCCACTTAGGAGGGCTTTAAAGGGACTAAGAGCTTGATCACTGGACAAAGAAAGACCAATCTC

>trans\_c\_3209 NM\_124368|Arabidopsis thaliana catalytic/ glucosylceramidase (AT5G49900)  
mRNA, complete cds

ACTTGATCCAAAAGTAATGAGCAGCGGCTTCATCGTCAACCTCAGAAGCCAATGCAGAAGCCGCCTGAAGAG  
CAGCCACCCACAAGCCACCGCAATATGCACTCACACCCTTACAGTCCAAGTATCATAAGTCTGATCAGGGAA  
CCCCTCATTCTCAATCATCCCATCTTTATCCTTATCAAATTGCTCCATAAAAGCCAAGGCCACATACCCGAAGG  
CCAAACAGATTTTGCAAAATCTTGTCCCCTGTAGCAACCACATCCCTGTAAACCTGAAGAACGAATTTGGAAC  
CCAAATCTTTCATCTGGTGACATTCAAAGGTTGTAAGCATTGACTTCAAACCAAGGATCGTTGAACCCAATA  
TCATGAGGGACAGCTCCAAGAACTTTTCGAGGAACCCAATTTCCGTGCTCATGATCTTGGCCTTCTGGGATC  
GTGCATGAGTACAGCCGCGCGCAAATCCCTTTGAATGCTGAGCTCAAGTTTTGGGAAAAGCATGATGAGAGC  
AAAAGAGGAGTAGAAATGGACATCGTAAGTGTTCCACATTAGGTATTGGCTTCCTTCGACAAGAAGTAAGTT  
GCCGACGTTTTCTTACCCGGGATGAAGAAGTCTGGTTCAGAGTGCAGCGTTTGAGGGTCCGCGGCCACCGTC  
AGTTTGATCGAAGATCTGAGACATTCTCTCGAGTATGTCGACGGCGACATCCTTGCGGTGGACGCCGTTGGG  
ACTCCTCCATTGGGCTCTGACTTTGATCTTTCGAGGAAGTACTTTTTATGACTAATGGTCGATAGGTTTTGTAG  
GGGAGGTAAGCCGTCTGTCCAAATTGTTCCACCAGAAATTAGGAAATATAGCTCATTAAATAGAGTTACCGTG  
T

>trans\_c\_3210 AB007503|Glycine max mRNA for squalene synthase, complete cds

ACGACTGAAAGGTGATTGTCAATTTGAATTTGAGGCCTAAAACATTTGTGTGTAATTTCTGAAAATACCCGTTTG  
CCAATTTGTGTAATTCACCATTGATCCACCAGTTGAGGTCTCTCTCTCTTTCTTCAACTTCCTCATTCAATTTCTG  
TCTTAAGAAACAAACCCACGCTTTTACGTTTTTCTTATCAATCTCTGATTACATTACACCATCCTCAACAATTTT  
TTAGATTTTGATTTTGATTTTGATTTGTCATAGTACCCAAAAAGTCTTCATCTTCAAGCTTCGCTCCTTGTTGT  
CTTCCTTATATCTGAAAACAACCTTCATTCATTTTGTAGTCATCTGGGTTTGAATCATTCTTCTTTTTTGCTTTA  
TAGTGTGAATTTCTCGTCATCAATTGAAGAATAGGAAATCTCAGTTGAGGAATTGGGCATTTGTTGTGGGAGT  
TGACCAGTCAAAGATCTGAAGCTCTGTGGATTTGAGAGCGAGAAATGGGGAGTTTGGGAGCGATTTTGAAAC  
ACCCAGATGACTTTTATCCACTTTTGAAACTGAAAATGGCCGCTAGACATGCGGAAAAACAGATCCACCTGA  
GTCTCATTGGGGATTCTGCTATACCATGCTGCATAAGGTCTCAACAAGTTTTGCACTCGTTATTCAGCAGCTTA

AGCCTGAGCTTCGCAATGCTGTGTGCATATTTTATCTTGTTCCGCGAGCCCTCGACACTGTTGAGGATGATACA  
AGCATACAAACAGACACTAAAGTGCCCATTTCTGAAAGCTTTTCACTGTACATTTATAACCGTGATTGGCACTT  
TTCATGTGGCACAAGGACTAAAAAGATCTTATGGATGAGTTTCATCATGTTTCAACTG

>trans\_c\_3211 AJ007588|Arabidopsis thaliana mRNA for monooxygenase 2

TTTTTTTTTTTTCTCTATAAATCCAAACAGAGCAACTTCTAATCCCAATCATTTCTGAATCATCCACACAATT  
GAATTGTTTACTCTGCCGGAATCATGGAAGAAAAAGGTGATGTTGAAGAGATAGTGATCGTCGGAGCTGGAA  
TCTCAGGTCTCGCCACTGCCTTGGGGCTTCACAGGTTAGGGATTGAAGCTTAGTATTGGAACTTCCGATTCT  
TTGAGAGCCGCTGGTTATGCTTGACTACATGGAATAACGCTTGGAAGGCTCTCGATGCCTTGGGAGTCGCCG  
ATTCTCTCCGCTCCGCCACGATCGCTCGCCGAAACGTCACCTTCTCGGCGGTTTCCGGGAAGCCAACTTCG  
AATTTGCTCTTACGGGTCACCGAGACCAAGAAGCCAGAAGCTAATGAGAAAGTCATTACTAGAAGCACTGG  
CAGTGGATCTTCCAAAAGACACGATTAAATATTCTCAAAGCTCGTTTCCATTGAAGAAGAAGCAGCAGGCTT  
TCTTAAGCTCCTGCATCTTGCTGATGGAACGATTCTCAAACCAAGGTGTTGATTGGATGTGATGGAGTGAAC  
TCTGTGGTGGCTAAGTGGCTTGGCTGAAGAAGCCTTCTTGTGAGGAAGAAACGCTACCAGAGGGATCGTA  
ACATACAACGATGGTCATGGATTTGATAATAAGTTCATGTGGTTCTTTAGCAAAGGCCTTCGCTTTGGTGTAT  
GCCATGTAACCTCAACACTGTTTATTGGTTTGCCACTTGGTGTCTTCCAAACAAGAGGAGGAGATTGAAGAG  
AACCCAACAAAATTGAAGTAACATATTTTGAAGCAAGCTTGAAAGGTACCTGATNCAAGCAGGGCTGTTGTT

>trans\_c\_3212 Novel Gene

AGTTCATAGGTATTTTAAACAAAATACGACCCAATTCCATCAACAACATATCTTTAAACCTTTCAAAAGATTTG  
CAGATCGTCTTCTCCGTCAATTCTCAAACCTTTCACGCTTCAGCTGCACCGATAACTCCTTCCGGGAAGCGTTTG  
TAACAGATCGAGAAACCTTCGATTGCGAATCCAAGAACGTACACGCCTGAAGTTGGATTCTGTTTCGTCCCGA  
GAGAGTCATGAACGCGAGAAGGGAACTCCGCAACAATAGAGTTGCTCTCTTTGATGGCATTGAGGAGGGTG  
GTGTTAGGGCCTCACCTTCTACACCTCCCATGAAATTGAGGAGCATGATAATGAAGCAGCATTGGAAGGCTT  
GCAAGACAGAGTCCTCTGTTGAAGAGGTTGACAGGTGACATAAATGAGGAGGTGGAGAGTCACAACCGCA  
TGCTTGATAGGATGGGTAATGATATGGATTATCAAGGGGAGTGTTGTCGGGCACTATGGATCGATTCAAGA  
CGGTATTTGATCCCAAGTCGAGGCCGAAGATGTTCTCACTAGTCGCACTTTTCGTGACAATTTTCTTCATCGTG  
TACTATCTCACAAGGTAATCCCTCCTCCGTATGGGTATGGAAAGAACTCGAGCTTGCCTAGAAGACGATGAAT  
CACTTTTGGCGCTTAGATCTATCAGTATTGTTACTTGTTAAGTTTGGGATAGATGTTCCGTTGATGGTTTGTGTG  
AATATGTTTTCTGTACCAAATTAAGTTGAATGAGTTTGAAACCAAATATCATCTGCTGCTCGCCATTAGCTG  
ATATTGTTGATGGTGAGAGATATATAATCAGCAAACCAAGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3213 AJ427912|Spinacia oleracea partial mRNA for sigma factor (sig2 gene)

GTGCAGAGAAGTTTGATGCATCAAAGGCTTCAAGTTTTCAACCTATGCTCATTGGTGGATAAAGCAAGCAGT  
GCGAAAGTTTCTTCTGATCAGTCCAGGACTATTCGCTTGCCATTCCACATGGTGGGAAGCAACTTATAGGGTGA  
AGGAGGCTAGAAAGCAATTATTAAGTGAAAATGGCAGACATCCTGATGACAAAGAAATTGCTGAAGCAGCCG  
GGCTTTCGATGAAGAGGCTTGCTGCAGTACTAATGACTCCAAAAGCACCCAGATCCTTGGAGCAGAAAATTG  
GAATAAACCAAAATCTCAAACCATCGGAAGTCATTTCCGATCCGGAAGCAGAACTGCTGAAGATATGTTGAT  
AAAACAATTCATGAAGCAGGACCTCGAGAAGGTACTCGACTCCCTTAACCCAAGAGAGAAACAAGTAATTAG  
ATGGAGGTTTGAATGGAAGATGGGAGGATGAAAACATTGCAAGAAATAGGAGAAATAATGGGTGTAAGTA  
GGGAAAGAATTAGACAAATTGAATCATGTGCATTAGAAAACCTCAAAAACAAGAAGAGAACTAAACATTTGC  
AGCAGTATCTGATGTCATGATGAGTCTCCATCAGATTTCAAGAGTTAGATTCTCCAAAAGTAATTTATTATCTC  
ATCTGATATGAGGCTTAAACAAGGCTGGTTCTTCTTTCTTTATTTACTTTCTTTCCCTTTCTCTGTAACATATAT

TATTATGCATCTTTTTTCATTTTCAGGATAGAGTAATATCTGATCGTTTACAGAATGTTAGGTACTTTTTCTGTTCA  
TACATAATTCAATTTTCAATCAAGAAATTTATCGTAATTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3214 AF325002|Arabidopsis thaliana AT4g37020 (AT4g37020/C7A10\_340) mRNA,  
complete cds

AAGGGCGCTGTGCTGTAGCGCAGCGACCATGGCAATCGATCCAATTGAAGCATTCTCGCCTCCCTCTCACTCA  
TCTTCCCATTTTCAGTCAACAGCGCCACTTCTATGTTGCCGTTGATAGGCTCCAGTTTAAGATGGAAACCTTAGT  
GGGCTTGTGGACGTGGCCGGTCGCCGTCCGTCGTTGCCGATGATTGTGTGTTGTAGTTCTCGTGACGAACTC  
GATTCTGTCTGCTCCGCCGTCTCCAACCTCCAATACATCTCATTGGCCTCTTTGTACAGTGACCTTGCCGAAGCA  
GACCGTGCACTGATTTTAGAGAAATTTTCGGCAAACAACATCAAGGTGGAGCCAAAAGTTCAGTTCTCTATCAG  
AAGAAAAATGTGAGGGTGAGAAAGTTGGAGAAAAATCTCACATGATTGTAGTAACAGACGCCTGCCTTCCAC  
TTCTTGCTTCTGGGGAGTCGCCTCTTTCTGCCCATGTTTGATAAATTATGAGATACCAACAAAGAAGGAAACA  
TATATGAGGCGCATGACTACCTGCTCGGCCTCAGATGGGATCTTGATCAACATGGTTGTTGGAGGAGAAGTG  
GTAACTCTCAAAAGCATTGAAGAAAATAGTGGCCTTGTTATTGCTGAGATGCCCATTAATATTCTGAAATTTT  
GTAAGGATGTCGGCTACAGTGGAACATCTAAGGACAACACAGAAGGTTTGATTAGAAGGTGTTTTACCCCTAC  
CAACTGATCATTGTCAATGATAACTTACGTTGGTTGATCTGTACTTGAGAGAATTTTCCAGTCTATTGAACAGG  
GGGCTATTATTAGAGAGAATGGAATGCTGAGATAATTTGGTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3215 AB264310|Glycine max GmJ1 mRNA for DnaJ-like protein, complete cds

ATAGACGGAGAAAAACAGAGAGAAATGCAGTGTTCCGATTTACCTTTTCAGGGAGCGATTACGCTTCTACA  
TCCCTTCTAACCCTACCATTTCGCCCGCCGACCAATTTCCGGCTACCGATCTCGGGTTTTCTTCCCCACACTCC  
GCCATTCAATTCGACGCGCTTGCCGTCTCTTCAATTCGAGCCAAGGCCTCGTTCAACGAAGGATTTCGTTTCT  
CCGAGGTCGCCGAAGGCTCCTTCTACGATTTGCTCGGCATATCTCAGTCCGGATCCTTGCGGAAATCAAGCG  
CGCGTACAAGCAGCTCGCTCGGAAGTATCATCCGACGTTTCACCGCCAGGCGGTGCGGAGGAATATACGAA  
GATGTTTATTCGTGTTCAGGAGGCCTATGAAACATTATCAGATCCGAGGAGGAGAGCGCTGTATGATAGAGA  
TATGATTGGAGGGCTTCAAGTCGCGTTCTCTGCTAGGAGACGATACGACGCCGCTGAGGAAGTTGCGGAGAA  
AAGTGATGGAGAAACAGTTGGGAAGCTCAGATTTGCGAATTGAAGAGAAGAAGTATGGAGAAGGATTGGA  
GACAAAATATGTCATGGGGAGCTCGAATGCGCCGGCAAATGAATGAACAAATCTGATGGAAATGGAATTATT  
ATACATATCAAGGAAAACCCATGTTTGACTCAGAATCAGTAAATAGAATACGGCTTCTTCGGTAACAATAAATT  
TTTTTGTTAGTTTTTTCTTCTAATTTCTTGAAAAACGTACTCTATGTGAAACCTTAACGAATAATAATAAAAA  
AAAAAAGCAAGACATTTTCAAATGAAAAATAATTAATGCATTGCTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_3216 X98474|Solanum tuberosum mRNA for brittle1 protein

AAAGCAGGAAAGGGTTCAGGGGATCGGAGGCAAAGGGTGGGAGATTCTGCTCTCTCACTCTCTCTCTCT  
CTCTCTTCTCGCTGTTTCATCCTTCCCCATAAACCCACATTCCCTCTCTCTTTCAACTCAAATTTGCTGGCTGCAT  
TAACTCCTCTCATTCCCGTTCCTTCTTCTTTGATTCTGAATCCCGACCGAGATGGGTGAGAAAGGAAGTCAAGTTTA  
GCCTATAAACGAGATGGGTTCTTCTCAGTCTTCGATTTGGGCTCCCAATGGAGTATCCAGGAAGGCCACTTCC  
ATCCCGGAGGCTTATTCGCCAGTGTGCGTCAGATGGGCATCGGGTTCGGCATCTCACCAATTCTTCAAATTC  
GGATGACGCCAATTTCTTACTCCAATTTGTGTATGAAATATGTACCTTCTGCTGAGGCTGTTAATTTTGAGG  
AAACTGTTATCAATAAGAAGAAGAATAAAGGGTGGTTTTCAATTGAGAATTAAGGTGGAAAATCCCTCACT  
GCGGAGGTTGATAAGTGGTGAATTTGCTGGGACAGTGTCAAACACTTGTGTGGCGCCATTGGAGACCATTAG  
AACTCATTTGATGGTGGGTAACGGTGGCCACTCTGTCACTGAGGTGTTCAATGATATTATGAAGAATGATGGG



TGGAAGGGATTGTTTAGGGGAATTTGGTCAATGTTATTCGGGTTGCACCCAGCAAAGCGATTGAGCTTTTTG  
CTTTCGATACAGTCAACAAGAACCTATCGCCTGGACCAGGCGAAGAACCAAAAATCCAATCCCTCCTT

>trans\_c\_3217 U63374|Lycopersicon esculentum polygalacturonase isoenzyme 1 beta subunit  
gene, complete cds

GCTACCCCTTCTCGAGCTCGAAGCTGGGGGTGATGAAGCAGATATTCCACGCTGGGGATAACTCTTCGATGGA  
GACAATGATGACGGAGACTGTAAGAGAGTGCGAGAGGGTGCCAGCGCCGGGGAGACGAAGCGGTGCGTG  
GGTTCGGTGGAAGATATGATAGACTTCGCGACGTCGGTGCTGGGGCGGAACGTGGTGGTCCGGACGACGGA  
GAACACGAAGGGGTGCAAGGGGAACATAATGATTGGGAAGGTGAAAGGGATGAACGGAGGGGAAGGTGAC  
GGAGTCCGTGTCTTGCCATCAGAGTCTGTTCCCTTACCTACTCTACTACTGCCACTCCGTGCCCAAGGTTTCGAG  
TGTACGAGGTGGATTTGCTGGATCCGGCCTCTAAAGCCACCATCAACCACGGAGTTGCTATCTGTCACCTGGA  
CACCTCCGCTGGAGCCCCGCTCACGGGGCCTTCATAGCTCTCGGCTCCGCTCCCGGTTCGGGTGCAAGTGTGC  
CACTGGATCTTCGAGAACGACATGACGTGGACTGTAGCCGACTAATCGGAGGATGTGGCTCTTGACTTGAGA  
GGTTAATTTTAAGGTAAATTGCTCCTTTGCTTTTCAATTGGATTTGAAATAGAGGTAAAAAACTATATATATT  
TTCTTTTTTGCCTTACTTAATTTCCGAAAAAGGGTAAATGTGATTGTAATTCCTGGAAGAAATGAAAGGGAAT  
TAGATGGGAGTTGAGTGGATTTGGTTGCCATTGCCAATTGCAAATTGGATCGGTGTATGCAAAGCTAGTAAAT  
AAACCATAGAATGAAAAGTGTGAAAAGATGAGATGAGGTGGTCCTGTTTCTATATATATGCGCTGGGCCTAC  
ATTTCTTTGTT

>trans\_c\_3218 NM\_100197|Arabidopsis thaliana GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family  
protein (AT1G03150) mRNA, complete cds

TTTGTTGTTCTTGTCAAAAACAGAGCATACAAACACAGAGCGATAGCAAAGCTATGACGACGTTGCGAAGAT  
TTTGCTGCAATGATCTACTTCGTTTCACTTCGTCATCTCGATCACCTCACAGAAACCTTCAATATGTCCTTCTA  
TATGACCTACTTGGCAAGATGGCCTGATTACTTCCATGTCGCGGAGGCCCTGGGAACCGCATAATGGGTAC  
ATCATGGGAAAGGTTGAGGGGCAAGGCGAGTCATGGCATGGTCATGTAAGTCTGTGAGTGTGCTCCAGAA  
TATCGCAGGCAACAATTGGCCAAGAAGCTTATGAACCTGCTTGAGGATATTAGCGACAAAGTTGATAAAGCCT  
ATTTTGTTGATCTGTTTGTGAGGGCATCGAACACCACTGCAATCAAGATGTATGAGAAGCTTGACTATGTTATC  
TATCGGCGCGTGCTTCGTTATTATTAGGGGAGGAAGATGGATTAGATATGAGGAAAGCATTATCGCGGGAT  
GTTGATAAAAAGTCCATCATTCCGCTAAAAAGGCCAGTGACTCCTGATGAACTAGAATACGATTAAGTCAAGA  
GAAATGAAGTATGATCATTGATGGAGAAGACATATCATGTACGCATGAGTTGATGATAGCTAGCAAGGTTAG  
CAATCGTCATCTTGAAAAAAGGTGTTGTACTTGTATCCTAAATACGTTGTTTAACTTGTATAATTCAAATGAAA  
AATCAAGTTAAACTTTTTACTTCAACTATTTGATATAATAGCTTGTACTTAACTTGAAACTGTTGTTTCATCCAA  
TTCTTTTTCAATGATCACCTAATGTTTTTTGGGTAAAAA

>trans\_c\_3219 NM\_001057844|Oryza sativa Japonica Group Os03g0754900 (Os03g0754900)  
mRNA, partial cds

AACCATTTTCTTTTTTTCATCTTCTATTTCTAAAACCTCCACACATCCCGTATTTATGATGGGGCTCTGAAC  
CGTGAAGAATCCGAGAGTGGAGTCGGAGTTGGAGTGGAGCAGGGAGCTAGCAGTCGGGGTGCTAAACTGA  
AATAACTGAGGTATTGTTTCGAAGGAGGAGATGGAAGGCAGCTTCGAACAGACCCTTCAAGATGGAAAGCTT  
TATAGACAAGTCAATTCTCTCATTGTCGCTCATCTTCGTGATCACAACCTCACCCAGGCTGCAAGTGCTGCTGCT  
TCAGCTACAATGACACCGCTGAATGTTGATATCCCACCTAAAAGCTTACGGAGCTCGTTGCAAAGGTGATAC  
CAGGGTCTTGCGGTGGAGAAGGATGAGACATTAAGAGGGAGTCCTGCTTCTGCATTGTATGAATTTGGTTCA  
TCAGTGCCCACTACATTTGGATCTGCACAGCCCTCTCGTGCTTCTGCCATCAACTTCAGCACTACACAGGATAC  
AAAAGTTTCTTCGAAGAATTTTCAAAGCACGAGACTCGACATCTTCCGAGCATAAGAATGCTGCCAGATGT

GCAAGATTCAGTGCTGATGGGAGATTTGTTGCAACTGGAAGCCGCGGATATGTCAATAAAGCTGTTTGAGGT  
GGCAAAGATCAAGCAGATGATGCTGCCAGATGCAAAAGATGGTCCTGTCCGACCGGTTATAAGGACATTTTA  
TGATCACATTCAACCAATAAATGATTTAAGAATTTTCATCCTCAGAATACTGTTCTTGTATCTGGTGCAAAAGAC  
ACACAATAAAGTTCTTTGACTTCTCCAAATTGACTGCAAAAAAAGCATTTAGAGTTATCCAGGATACTCATAAC

>trans\_c\_3220 FJ901243|Vitis vinifera CBL-interacting protein kinase 15 (CIPK15) mRNA, complete cds

AGGACAGGGTGAAGAAAGAGGGGCTTCTTGAGCAAATCCGGCGAGAAATTTCTGTTATGGGGTTGGTTCGTC  
ATCCTCATATTGTGGAATTGAAAGAAGTTATGGCGACGAAATCGAAGGTGTATTTTGTGATGGAGTATGTTAA  
TGGAGGCGAACTGTTTGTGAAGTTGTCTCAACAAGGGAAATTGACTGAGGATGGAGCAAGAAATTATTTTCA  
ACAGCTTATCTCTGCCGTGGACTTTTGCCATAGCCGTGGTGTCTCTCACCATGATTTGAAGCCTGAGAATCTCC  
TTCTTGACCAGAATGGGAATTTGAAGGTTTCTGATTTTGGCCTCTCTGCGCTGCCGGAGCAGCTCCGGATTGAT  
GGTTTGCTTCACACACGGTGTGGAATCCGGCTTATGTGGCGCCTGAGGTGCTCAGAAAGAGAGGATACGAT  
GGCGCCAAGGCGGATATTTGGTCTTGTGGGGTGATTTTGTGTTGCTTGCTGGGACTTTGCCATTTGAG  
CTGATAATGCGATGAAGTTGTATAGGAAGATTTTCAAGGCGGAGTTTGAGTTTCTCCATGGTTTTCTTCAGAA  
GCCAAGGAAATGGTGTCTAAGCTTCTGGTTGTTGATCCTCAAAAGAGAGCTTCAATGGTTGAGATAATGCATA  
GTCCTTGTTTTCAAGAGGGGCTTCACAAAGCCAGTTTCATTCCTGAGAAAGATGAATTCACAATGAATTCTCT  
GAATTGGCTAATCCCAAGTTGTTGTCATCTTCTCCTCTTTTACAATGCATTTGAATTCATTTCTCAATGTCCT  
CTGGTTTTGACTTGTCTAGTTTGTGTTGAAAGCAAGAGGAACAAGGCTCTATTTTCACTTCAAATGCCCTG

>trans\_c\_3221 Novel Gene

TGAGGTGTGCGATCATTCAGTTCACACTACCCTCTCCAAATCGACCCGCTTCCAACCACTTCCGTAAGGAGAAA  
GCAAAAACAAAGAACCCACAAATGGATTTGGCGGAGCTGTGGTCAATTTTCGGCCAGGCGTCGCCGGAGC  
TGTGTTTCGGCGCCGGATGGTGGTTCTGGGTTGACGCCGTTGTCTGCAGTTCTGTTGCCGTCTCCTTTGTCCACT  
ACCTCCCAGGTATTTTTGCTTCTTTGCGGCTTAATGTTCAATTGCGTTCGAAAGAAGACATCGATTATTCTC  
CATACGAGGAGGGGAATGGAGGTTGAAGCTTTGGCTCTTCTTCGCTTATGTGGTATCATTGTTTTATTAGC  
AGCATCAGTGGGTCTCTTGATACAAGATTCAGTAGTAAAACTGGGCCATCAGTGTGGACAGGAGTTGCAGG  
AGTGTTACAGTGTGTGTTTGTGTTGGTTAGTGGGTTGATTTACTGGACATCTCACTCGGAGTAGGTTGGAAAG  
AATTATGCACCAAGGCAAGACCTCAAAAGCTGAAGAGTTTACCAACTGTATAGAGCTCCAATGTGCACTGCAA  
TGTCGAGTCATTTGTTTGTGTCTATTGACCTGAACCAAGAGCCTTTTAAATTTTGTAAATGTCATGTGTTGCA  
TTATAAGCTGAAACCATGTCTATATGTCTTTATGAATTCAATATAAGTGAGCGAGATATTTAATGTTTAGCTTTT  
GTTCTTTTATTTCTTCAAAATCAAAATGTTTTCTGTGCAAAAGAATAGAAAATAAAATATAACTATGGTCATGTA  
GAAGAACTATCAACATTAAATTGTGATAAAGTTATTGTCATCTGAAAACAATAATTACCAATCCATT

>trans\_c\_3222 NM\_122974|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT5G35830) mRNA, complete cds

AGTGTCTCGAAATTTTTTTTTGACAGTTCTGAGGAGGCCGATATGGCAAGCTCAGTGCAGACTTCCCATAGCG  
AAGACGATGATATTTCTTCAGAGTCAAGTGGAGAAGAAGAACAACCACTCCTCTATCAGCTCAAAGGCCGAA  
TGCTCCGCCGGCTGATGCGTACGTCGTCGATATAAGCGATGAAGAAGGAGATGGAGAAGAAGAAGAAGAAG  
AAGGAGAAGATGAGAATGGGGAAGAGCAAGAGAACGAGGACGAAGAAGAAGAGAGCAATAACAATTCCAT  
TCCCCGGTCTTCCATGGAAGGCAGTCGGTCCAGTACCGGGGCACCAACACAAGATCCCACAGATAATACAAC  
GATCCAAGAAGTAACCATGGAGTAGAGCCTGAACCAATCCCAATCCAGATCCACCAGCGGAAAATCAGTCTT  
CCATTCTGTTCAACTCGACAAAGAAAAAAGGATTGCTTCCAGTACAGGTTGTGTTATATCAAGCTGCTATAAAG  
GGTGATTGGAAGACAGCCAAATCTATATTTGATGTAGATTCATCAGCAATCACTATGAAGATTACTGATGGAG

AGGATACTCCTCTTCATATTGCTGCTGCTGCAAGACATATTTCAATTCGTTGAAAATTTGGTTGGAAAATATTCCT  
CAGATAACTTAGCTATCAAAAATTCAAATGGAGATACTGCTCTTGCCTTCGCTGCTGCATCAGGAGTTGTAAGA  
ATCGCTAAAGTAATGGTTGACAAGAATGAAAACTTCCAAATCTTTATAATAATAGTAAACAATCCCAAGTGCT  
AATGGCTGTAGCTTACAACGCAAAGAAATGGCTTCCTTCCTCCCTCTCCAGACTGATTTTCAAACGCTAGATGA  
A

>trans\_c\_3223 AY128301|Arabidopsis thaliana At2g47250/T8I13.9 mRNA, complete cds

AGGCTGCAGATAATGTGAGAGAGCAACTAGTCCGCATCATGTCTAGGTTTAACCTCAAATTATGCAGCACAGA  
TTTCAACAGCCGTGACTACTACGCAAACATAAGAAAGGCCATGCTATCTGGGTATTTTCATGCAAGTAGCTCATT  
TGGAACGGACTGGACACTACTTGACAGTGAAGGACAACCAGGTGGTACACTTGCATCCGTCTGAATTGCTTGG  
ATCATAAGCCAGAGTGGGTCATTTACAATGAATACGTCCTAACAAGTAGGAATTTTCATCCGTACAGTGACAGA  
TATCCGGGGTGAATGGTTGGTGGACATAGCATCACACTATTATGATCTGGAGAACTTCCCCAATGTGAGGCC  
AAGCGTGTTCTTGAAAGGCTGTACAAGAAGCGGGAAAAGGATCGTGAAGAAAGCAGGAATAGAAAATGAGG  
TTTTTCCCAGCCGTTCTGCCCTTGGAGGTTTCAACTTAGCATCAATTTTCTCCGAGGCGTGATGAAAGTGGG  
AGGCATCCCAGAACCTTAATCGTTCTTTCATTCTTCATTCCAAGGTCGTCCATGGCAGATAACTTTTAGCTGAG  
GAGCGGAAGAAATTGGTTGTATTTCTATACTGTTGAATTAGGCCAGTGTTCTTAGGGTTCATATAGTCTCAAAA  
CATTACACACTCGCTAGAATTTGATTTTTCAATGCTATGGTGTTTTTCTATTATGTTATTTTAGTGATGAAAT  
CTGAAAAGCCAATGTGACCATAGCTAACATTTCAACTCTCCGAACAACTTTTCATAAATGTGTAATTGTTAT  
GTTTCGTAGAAACAGTATATATCCAGATTTACCAACTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3224 AB190367|Pyrus pyrifolia PpGAL6 mRNA for beta-D-galactosidase, complete cds

CAGCATGGTCCGTGAGCATCTTGCCAGACTGCAAGAATGTGGTGCTGAATACTGCAAAGATTAATTCGGTAAC  
AACCAGGCCATCCTTTTCAAATCAACCTTTGAAAGTCGATGTCAGTGCTTCTGAAGCATTGCACTCCGGTTGGA  
GTTGGATAGACGAACCAGTAGGTATCTCGAAGAATAATTCTTTTGCGAATCTTGGACTTTCAGAGCAAATAAA  
TACTACAGCAGATAAAAGCGATTACTTGTGGTATTCTCAAGCACTGATATAAAAGGTGACGAACCTTACCTT  
GCAAATGGATCAAACACTGTCCTCCATGTGGATTCCCTTGGCCACGCTCTTCATGTTTTTCATTAATAAAAACTT  
GCAGGAAGTGGGAAAGGTAGTGGTGGCAGTTCTAAGGTTTCTTTGGACATCCCCATCACATTGGTACCTGGG  
AGAAATACAATTGACCTGCTGAGTTTGACAGTAGGACTTCAGAATTATGGAGCCTTTTTTGGAGCTGAGAGGTG  
CAGGGGTACAGGTCCTGTAAACTGGAAAGCCAAAATAACAACATAACTGTTGATCTCTCCTCGGAACAATG  
GACGTATCAGATTGGACTTGAAGGTGAAGATTTAGGCCTGCCGAGTGGAAGTACTTCCCAATGGCTTTCTCAA  
CCTAACTTGCCTAAGAATAAGCCTTTGACGTGGTACAAGACCACATTTGATGCCCTGCTGGTAGTGACCCACT  
TGCTCTAGACTTCACAGGGTTTGGAAAAGGTGAGGCATGGATTAACGGACACAGTATTGGCCCGTATTGGCC  
ATCGTACACTGCCTCCGGTCAATGTACTTCATATTGCGACTACAAAGGATCTTACAGCGCAAACAAATGCCTT

>trans\_c\_3225 XM\_002873986|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata La domain-containing protein,  
mRNA

TTTACTTCTACGAGCAAGTACTGGAAAAAAGCGATCTAATCGAAAAAAGAGCAAGTGCAATTCAGAGAATA  
GAGAGGGAACCTCACGATTATCTAGCAGTGCTACAGGATCAGCACGGTCAAAACCTAGTGAAAATTCTGCTG  
GATACTGTGGTTTGGATGAAATTGGGAATGCTAGTCCCAGGAAGAAACAACTAAAACCTTCCCTAAACAACA  
ATCTTCACATAAGCAACGCTTTTTCTCCAGCAACTTTAGAAATCATGGAACGAGTCGGAACCTCTTTGGCATTG  
TAGCAGAGGGTCCACCTAGTAATTCTGTAGGTTTTTCTTTGGTTCTACCCCTCCTGATAGTACAAGCTCCAGG  
CCGTCGAAACTGAGTGTTTCTCCTCATGGAACTTCCTTGGCAATAGTCCACCAGTGGGATCCCTTCCCAAGTC  
TTTTCCACCCTTTCAGCATCCCAGTCACCAACTTCTAGAAGAGAATGGTTTTAAGCAGCAGAAGTACCTTAAAT  
TTTACAAAAAGTGCTTGAGTGATAGAAAGAAGTTGGGTATCGGTTGCAGTGAGGAAATGAATACTCTATATC

GGTTTTGGTCTTATTTTCTTAGAGACATGTTTGTTGATTCAATGTACAATGACTTCCGAAAATATGCACTGGAA  
GACGCTGCTTCCAACATAATTATGGAATGGAGTGCCTTTTCAGGTTCTACAGTTATGGTTTGGAAAAAGAATT  
TAGAGAGGAGCTATACACGGACTTTGAACAGCTTACCCTTGAGTTCTTCCAGAAAGGAAATCTTTACGGCCTT  
GAGGAATACTGGGCATTCCACCACTATCGTAGAACACGAGATCAGAAAGAAACCCTAAGAAACATCCGGAAT

>trans\_c\_3226 XM\_002864080|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase M48 family protein,  
mRNA

ATTTTCATTTTACTTTTCACGGAAATGAATACAAATATTCATGAGAGAATTAGTTTCTGATTCAATTTGGTTTAT  
TGGACTTCCACATGTGTTTTAATCTAGAGATATGAATTGCTCTAGAAAATCGAAGTTTGATTTCGATGCATTTT  
GGAATTTGCTTCAAAGATTTTTCCCAAAGATTTAATTCAAGGTTCTAGATCAAGAATTTCCCATACTGGGTATT  
CGTTTCCATCTGGGAAAACCTCTAATTCTCATGGGTTTCAATCGGTTTCTCCAATTGTACAAAGATTTGGGGAG  
ATCAGGAGACGATACAATCCCTTCTTCGGTGATTCTGAAGAGATTTTACTATGTCGATCGCTACCGTGTCAGCA  
TTTTAAGCCAAGAGGACCTCGGCGATGGTTTCAAGATCCAAGAACCTTATTGATTGTTGTGGTGGCGGGTTTCG  
GGAGTTTTTATCACTGTGTATTACGGGAATTTAGAGACCATACCTTATACGAAACGAAGGCATTTTGTGCTGTT  
GTCCAAACCAATGGAGAGGAAGATTGGAGAGTCTGAATTTGAGCAAATGAAAGCAGCTTTCAAGGGTAAAAAT  
ATTGCTGCTATACACCCAGAAAGTGTGAGAATAAGATTGATTGCTAAGGATATTATTGAGGCATTACAAAGA  
GGGTTGAGGCAAGAGAATGTGTGGAGTGATTTAGGCTATGCATCAGAGGCTGTGATTGGAGCTCCTGAAGG  
GAGTGGCCATGAGACATTGATTGCGCTTAGAGATTCTGGGAATGAGAAGTTGGAAGGTAAATGGTACCGTGA  
AGATGAGATTCTGGATGACAAATGGGTTGAGCAAAGTCGAAAAAAGGGTCAGGGGTCCCAACCAATACCT

>trans\_c\_3227 XM\_002321315|Populus trichocarpa response regulator, mRNA

AATTTGGAGCAATTTCTGAACCAGCATCGCAGCATAAGCAGTCCAGCAAGCAGAAAGATAGAGAATTCTGGG  
CAGTCTGCGGAAAATCAAGGTCATATATCACCTACCACTGATCACAGTGCAAACAGTAATGTATGTCGTGGTA  
ATACGACTCAAGTTGGAAGCCTGGGATATCCTAGCACCTGCGGAAGCAACAGCAGTGTAGATCGAGTTGGTA  
TTGCAAGGGTTACATCTGAGAGTAGAAATGAAGAAGCTTTATTTTCTCAAGGAGGAGATTCTTATCGGTCCAG  
TCAAAGAGAAGCAGCTCTAACAAAGTTCCGACTGAAAAGAAAAGATAGATGTTATGAGAAAAAGGTCCGTTA  
CGAGAGTAGAAAAAAGCTGGCAGAGCAGCGTCCGAGAGTGAAAGGGACAGTTTGTCCGGAGAGTATCGACTG  
ATCCATTACCTGCAGAAACCAATGACAATACATCCAACGGTTAGCAGTTGGAAATAGGAGCGCCTGTAAAGCC  
CTTGAATAAGCGTTAAAGCCATATTGCTGCCTTTGCCCCTTCACTTAATAATACTTATAGAAACTGATAAAACG  
AGAGTGTTGGCTTGGGAAACTACAGGAACAAGAAGCATAAGCTGCCTTCTTCCCTTCCATATTCATTTTATT  
TGCTTACTTCCCAGAATTCTCTATCTTTTGTAAATTTCTAGAAATTTCTGTGAGGGACATTCTTTATATTTAACATGT  
AGATACACATCTCCAACATATGTATATTAATTTTGTTTTTTCTTCTTTTGTCTATTAGGATGTACTTTGTCTTTG  
GAGTTGAACTGGATTTTTCTGATCTAATGTAATCAACTGAATTGTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3228 DQ854729|Nicotiana tabacum chloroplast post-illumination chlorophyll  
fluorescence increase protein mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AATAAATGCGAGCTAGGATCTGTGCAGCNTAGTACAAGATTAAGACCACAACGGTCACCCCCTCCCACAGTAA  
GATTGCCAATCATTGCACATCTTGTTATAACAATGCTCGTATCTGGAAATATCGCTCTGTACACGCACCTTCTT  
TACTCAACTCTTCAGCTAGACCCTGATTGAAAAAGTCGATTGGTTTGTGTTTGGCAAGCCTTGGGAACTTGAAAC  
TGCAGTCTGTAAGGACCATCCAATCGGTACCGTTGGTGAATGAGAAGATCAAGTTTACAGCGTGCTTCGGAA  
TGCATATTTGGATGGTGTATATTGGTCCATCAGCTTTGCCCTCGATCTTCTTGAGCATAGCCCTTGGCTCCCCAC  
CACACATTATTGGCTGATTAAACCTCCATTAAAAGCAATCCCAAAATCTTCGTTCCGAGCCAGGTTGGTAGCA  
GCTGGATTATAGAAAAGCTTGAGCTTTTCCCCTGCGGTAGGGGGTAGACCGTTCACAGTTTCCAGTAAACCG  
GGGCCTTTCCAAGTTCAAACAAAGCCCAAGATGGAAGTTTGATCTCTGTCAATTCCTCTGTTGGAGATGCTTCA

ACAGCCACAGCAGCGTTCACCTTCCTCAGAGTCCTAAATCTGACATTGTTTCGGAAGGCATTTTCGGAGACGACG  
AACCAGAGAAATTAGAACCTAAAGTTCGAGTAGATTGTGGGCATGATTCTCCTCTGCGTTGGGTTCTAATGGG  
GAGAGAAGTTTGAAAGGAAGATGCAAAGATGGGTGCGTTGGTTGCCGCCATTAGTGACAGCTTCAGAGCTCG  
GATTCAGTGAGAAATGAAGCTCAAAGAGTCGTTTGAGGCCACAATTGAAGTGGATAAAAAGATGAAGAT

>trans\_c\_3229 U53345|Camptotheca acuminata AP-1 Golgi-related complex component protein  
(ap19) mRNA, complete cds

AGAAGAAGCTTTACTGTGATCAGAGAGATCGAATTTTTTTTGTGAGGATTTTGGCTTTGAGACCGCTGGTTCT  
TGGGAGTTCATAACAAAATGATTCACTTTGTGCTTCTTATAAGTAGACAAGGAAAAGTGAGGTTGACAAAATG  
GTATTCTCCATATTCTCAGAAGGAGAGATCTAAGGTTATCCGTGAGCTCAGTGGAATGATTCTAAATCGAGGG  
CCTAAGCTTTGTAACCTTTGTGGAATGGAGGGGACTGAAAGCTGTCTATAAACGATATGCTAGTCTTTACTTTTG  
CATGTGCATCGATCAGGATGACAATGAACTAGAGGTCCTTGAAATTATTCATCATTACGTTGAGATTTTGGACC  
GTTACTTCGGCAGTGTCTGCGAATTGGATTTGATCTTCAACTTTCACAAGGCCTATTATATATTGGATGAGCTT  
CTAATTGCTGGTGAATCCAAGAATCAAGCAAGAAAACAGTAGCAAGATTGATAGCCGCACAGGATTCGTTG  
GTGGAGACTGCAAAGGAGCAAGCTAGTTCAATTAGTAACATAATTGCACAGGCCACCAAGTAGATGAATAAC  
TTGAGAGTGTATGTTTCAGTTTTTGCGAAATTGATTGTTCTGAAGTATTGTAATTATATGTTATCTCAACTTGT  
ATCAAACAAGTTAATGCCTTATTTTTGCTTATTTCAATTTGTTGATTCCACAAATTGCTTTTTGGAAAAAAAATGC  
CCTCAAAGATGAAAAAATAAACACATTGTTGAAACCAAAACAAGTGAAATTCACATCATCAAGCGCACTGCTT  
AAACTTCTCTCATGAATCTCATGACTCCACTTAATAAACATTTAGCCCCCCCCCCCCCAGAAAAATC

>trans\_c\_3230 AB062739|Arabidopsis thaliana MKRP2 mRNA for kinesin-related protein, complete  
cds

CTGGGAGGAAAGGGAGGCATTCTGGGCGTCTTAATGAAAGGGCCGGGACAATTAATGATGAATTTGATACCT  
GGAGTCTTGATTCCGATGATTTAAAATTTGAACTTCAGGCAAGGAAACAACGTGAAGCTGCCCTCGAAGCTGC  
TTTAGCTGAAAAGGAATTTGTAGAAGATCAGTATAGGAAAAAGATTGAAGAGGCAAAGAAGAAAGAGGAGG  
CTCTGGAAAAATGATTTGGCTAACATGTGGGTGCTTGTTGCTAAGTTGAAAAAAGAGGGAGGAGGAGTCGGGC  
CAGAGTTACCGAGTGACGCTAGGCATAATCGTGAAGTAGCAGTAGAATGCTTTGTTGATGAAAAAAAATTCA  
AAACAAGAACCGATTCTAGCATTACGGACAGAGGAATGGTGGATATCTTAAAACCAGCTGGAGTGGAAGTGC  
CAAAGGAAGAACCACTCGTTCTCCGCCTCAAGGCAAGATGCAGGAGATGAAGGAAAAAGAGCTAAAAAGC  
ATGACAAACGGGGATGTGAATTCCTCAATACGTGTAAAGTATGTTTTGAATCGCCAACTGCAGCAATTCTTCT  
TCCCTGTCGGCATTCTGCTTGTGTAATCTTGTTCTTCTGCTTGTCCAAGTGTCCAATCTGCCGTACAAACATT  
GCGGATCGGCTTTTTGCATTTACTTCTTGATGTGGCATATACACACACACGCACACCACCTTATTATCCTCTCGA  
TAAAGGGATTTGTCTTTGAAGCTACCATTGCTAGATACCATGCAATTCCAAGGAGGATATTCTTTGATTAATC  
CGTATGTATCTTCTGAAAAGCAAATATATCATATCATATTTTTCATACAATATCTGAAAAATGTAAATTAATAT  
G

>trans\_c\_3231 EF051298|Gymnadenia conopsea U1snRNP-specific protein-like mRNA, complete  
sequence

GAGCGGAGTGGCATTGCATGTATCGAACCCAGACCTCGTTCCTTTCTTTTCGACCTTCTCCGCTTCTCCATTAGA  
GCATTTCTATTCCGCTGACAAAGGTGAGAGAAATGGCGGAGGTCACCACCACTGGCAACGAAGTTCCTCCCAA  
CATGACCATATACATTAACAATCTCAACGAGAAAATCAAGCTGGAAGAGCTGAAGAAGTCGCTGAACGCGGT  
GTTCTCGCAGTTCGGGAAGATTTTGAAGTGTAGCTTTCAAGACCTTGAAGCACAAGGGACAGGCTTGGGTT  
GTGTTGCAAGAAGTATCTTCTGCGACTAATGCGCTTAGACAGATGCAGGGTTTTCTTTCTATGATAAGCCTAT  
GAGAATACAATATGCGAAGACAAAATCAGATATAATTGCAAAGTCTGACGGTACATTTGTTCTCGGGAGAAA

CGAAAGAGGCACGAGGAAAAGGGGAGGAAGAAGAAAGAGCAGCATGATGCGAATCAAGCTGGGATGGGTC  
TGAATCCTGCTTTTCTGGAGCATATGGTGCAACAGCGCACTCTCAAGTACCTTATTCAGGGTGGAGTTATGG  
TGCCGGAGGCACCTGCCCCACCAATAGCATTTTGTGTACAAAATCTTCCACACGAGACAACTCCAATGATG  
CTACAAATGCTTTTCTGTCAATATCCTGGTTTCAAGGAGGTTCAATGGTTGAAGCAAAGCCAGGTATTGCATT  
TGTAAGTACGGTGACGAGGTACAATCAACAGTCGCCATGCAAGCACTACAAGTTTCAAGATGAAACCAAA  
AAATTCGATGTTGATAACCTATGCGAAGAAATAGGATAGTGAAACTTGGCCGAAACCACTGCTATATTATTC  
AT

>trans\_c\_3232 XM\_002875602|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata harpin-induced family protein,  
mRNA

ATGTAATCACATTATTTATCATCATCCCAAACAATGAGCGCCAAAGATGAGAAAGATTGTGGCCACGACGACG  
ACGACTACCAACAATTCCTCCGTCGTCTCGGCATCGTCCTCCTAATCTTAATCATAATCGTCGGCATTATAATCT  
TCATCGTCTGGGCCGTCTCCGCCCGTCAAACACACTTCATCCTCCAAGACGTCACCGTTTTCGGCCTCAAT  
GCATCTGTTTCCCAAATCTCTTATCCCTCAATCTGCAAGTTACTATCTCTTCACGTAATCCCAACGATCGCATTG  
GCATTTACTATCTCACAATGGATGTGTACGGCGCTTATCGTGGCCAACAAGTTACACTTCCTACGCTTCTCCCTT  
CTACGTACCAAGGCCATCGCGATGTCGTCGTTTGGTCTCCATTCTTAGTGGCGATGCGGTTCTGTGCTCCC  
GACGTTGCTATGTCGTTGCAACAGGATCGAAACGTTGGAGCTGTTTTGTTAATGTGAAGATTGATGGGCAGG  
TTAAGTGGAAAGTTGGGACGTGGATTTAGGTAGGTATCATTTGAATGTAACTGTCCGGCGTTCATTAAGTT  
TGGGAACCCGTGATCGTGCCATTGCTATTGGTTCCGCTATGAAGTTTCAAATTGTTCAAAGCTGCAACGTTGAAG  
TTTGAACTTTTTTTTTGTTTAATTAAGAAAATTGTTTTAAATAACAAAATTTTCAAAGAAAATATATTTTAAA  
ATATAGTAAAATTACTTTACTATATTTTAAATATTTTTTTTTTTGAGTAAGTTTGTTATATTTGAAAACAATTT  
TTTTAAATTAATTAATTCATTTTTTTTTCTAGTATTGGGAATGAGATATTGTATGTTG

>trans\_c\_3233 BT024827|Arabidopsis thaliana At5g67390 gene, complete cds

TGGTGTTGCCTATTTCTGAAGCATATCTTTCACGAAAGTTGAAGGAGATTGGCTGGAATCTCACCCCAAACATC  
GCACAACTTTGTATTCTAAACAAATGGGAAATACATGCATTCTCTGCAATTTCAATTTGCTGATCGGTAGTCGTT  
ACGATAACAGATTGTTTCAGACTGTTTTGGGATTCAAGATTCAACACTGCATCAGGTAAAAAGAAGTAAAAA  
GGGCTGAAATCCCAATGGAAAAGCTGCCTAAGGCATATGAAAAGGAGTACATGAGGATGGCCATGTTAAAGC  
ATGAAGAAACATTTAAACAACAGGTACATGAACTACATCGACTTTATCGAACTCAAAGACACTAATGAAGAA  
CGTAGAGAAAAGCAGGGAACTGAGAGTTGGGACAAAAGGAATGAGATATGTTTCAGACAAATCTATGAAC  
AAGATGCAAAAACTATTACAGATCAACTCATAACGAACTAGACATGGAGCAGCCTGCTGAAGATGAAC  
CAGAAACCAACAATGGAGCTCCGAGATCATAAACGAGACCGAACTCGAACTAACGCTAGGGCCTTCAAGTT  
ACAATACTTCAGATTAGGAACAACCACCTACTCTTCTTCAACAGGGTCCAGCCATGAGGGAAGAAGATG  
TACGGACACAAAGCAAGTTAAAGGTCAAGAAATGGCGGCTTTGGGGTAACTGAAAATTCCTCAGGCTGCCA  
AAACGGGAATAATAGAGGAGAGAAGAAGATGCTAGATTATCCTCCATGGCTTTTCAAGTTGTGAGCCTTAAC  
ATGACTTAATTTCTCAAGGTATAAAGTAATTACCAATTCATTTTTTCAATCAATTATATGAGAACATCTTTGGTT  
GCTT

>trans\_c\_3234 NM\_128109|Arabidopsis thaliana phosphate translocator-related (AT2G25520)  
mRNA, complete cds

CCAAATCCCTTCAGTTTCATCCTTTTCTTCGTCAACTCCGTTTTTCAGTTTTCGATCTGAAATCTTCCCTTTGG  
TCGTCGGATAATGGGGAAGGGCGGAGCCATCTCCGAGAGTGTTCTGAAGAAAGTTCTCCTTTCTTATGCCTAC  
GTCGCCATATGGATCTTCTCAGCTTCTCCGTCATCGTCTACAACAAATTCATTCTAGATCAGAAGATGTACAAC  
TGGCCTTTTCCGATCTCTCTACCATGATCCATATGGCCTTCTGTTCTCGATCGCCTACCTTCTCGTCAGCGTTT

TCAAAGTTGTGGAGCCAGTTTCCATGTCCCGCGAGCTCTACTTCAAATCTGTGGTTCCGATCGGAGCTTTGTAT  
TCGCTTTCCCTTTGGTTCTCTAATTCGGCGTATATCTATCTATCGGTTTCTTTTATACAGATGCTCAAGGCTTTGA  
TGCCTGTTGCTGTGTAAGTTCGCTTAAGAAGGAGAAGTTAAGTCTGATACAATGGCTAATAT  
GATTTTCGATCTCGCTTGGTGTTCAGTTGCTGCGTATGGAGAGGCGAAATTCAATTCAAAGGGCGTTACTTTG  
CAGCTGTTGGCGGTTGCGTTTGAGGCGACTCGATTGGTGATGATTGAGATTTTGTGAATTCCAAGGGTATTT  
CGTTGAATCCCATCACGTCGCTTTACTATGTAGCTCCGTGTTGTTTGGTTTTCTTATCTGTACCATGGTTGATAA  
TGGAGTACCCTTTGTTGAGGGATAATCCGAGCTTCCATTTGGATTTTGTGATTTTGGTACAATTCATTCTGTGC  
TTTTGCGTTGAATCTTGCTGTGTTTTACTTGTGGAAAGACATCTGCTTTNGACATGA

>trans\_c\_3235 Novel Gene

AAAGCCTCCCGAGTCTCTTAACAGTCCCTTTTTGGCCTTCCCCAAATCCCAATTCTCCCTAAATCTTCATCTTCAC  
TGTGAGAGAAAAAGGAAAAATCCGCCGTACCCCTCCGGGATCAGACCCTTTACTCACCGGAGAAGAAGATTA  
ATCCCTTCATCATGGCCAACAAGCGGAAATCTATCACTACCAGCCTCGACGAGGTAGATCGGACCATGTACGC  
CTCTTTTTGCAGTGCAGCTAACTCTCTCTCCAGCTTTACACCCAGGCTATGAACCACCAGAAGCTTTCTTTTCA  
AGCCGGTGAACGTCACGCCATGGAAAAGCTTTATCAGTGGATGTTTAGACAACAAGAAGGTGGATCGAGAGT  
GACAACAACCTGACGTACTCAATTATATACGGAACGAGTTGGATTACTGTGGAGAGGAACCGTCAATGTCCCCG  
AGACCTGCAGTCCACCAACATCATCATGCTCAACCAACAATGCAGTTTACAAATTCAAGCTTTCCAGCCTCAGG  
TCTTTCTGGGCAAGCAACTACCGGACAAGGTAGTCGCACCGAGCACTCTGAGAATCATTCCAAAAGTTCAGTC  
TTCTCGAACGCTCTGTCTAGCCCTGTTCCGCGAAGTTTGCAACAGTATCACATTGCTCACGAAGCTCACTACCC  
AAACAGTGGGATGTGCGGAGGAAATGGAGCCACTCGAAACAATGAATCCAACCTTTCTCAGCATCAAAACAC  
TGAACCTAATTCAGTCAGCTCTAACGACTCATCGATGGACATGCATGCAGACAGTCTGCACATGATTCACATT  
ACTGATTTTGGAGATCGCCAACCGAAACAAAGTTTTATTAGCCTGTGACAACATGCTCAAGTTACTGGCT

>trans\_c\_3236 NM\_148471|Arabidopsis thaliana methylase-related (AT1G16445) mRNA, complete  
cds

ACAGACGGAAGCTCCGGTGAAGATAACCCATAGAGTTGGGAGAAATGTTATCTTTGAAATTTGGGTCAAAAT  
GGGTGGCGGTTGCTACCTCCGAATCACTCGTAGGACGTCAAAGACACTTGAGAAGTCTTTGCTGTTTTTCAA  
CCATATTCATTCAAATGGGTTATCTTCTCAATATCAGATTGATGTCAATTCACCATTGTCGTCGAAACATTCTTT  
GTCTTTGGAAGGACTGGAGGATGTCATGGTTCGGCTACTTTTTTGGAAAGAAGAAGGCGACAGAAGTTGCTCA  
CTCTGTTTGGAAATGTGTCGTCAAAAAAAGGGGATACAGTGGTAGATGCTACTTGTGGAAATGGTTTTGATAC  
TCTAGCTATGGTCAAAATGGTTGCAGATGAATCTGGTTCTGCACGTGTTTATGCAATGGATGTACAAAATGAG  
GCTTTAGAAAGTACTTCTGCATTGCTGGACGAGTCACTCAGTGAAAAAGAGAATGGAGGATGTCGTTCCAGA  
GGATTCCCCTGTTAGGGTACCTACCTGGTGGTAACAAAGCAATCACTACAAAGTCAGAAACAACATTGCAAGC  
ACTTAAAGCTGCCCACAAGATTCTGAAACCTAGAGGGCTTATCAGCCTTGTGGTTTATGTGGGGCATCCTGGT  
GGACTGGAAGAATTGGAGACCATTGAAAATTTTTCTAGCGACCTGGCTGTTGAGAATTGGATTTGTTGTAAGC  
TACAGATGTTAAACCGGCCACTAGCTCCAGTGCCTGTGTTCTTATTCAAGAGATGAAAGTGACAGTTTATGAA  
GTTGGCTCATACATGGGTCACTTGCTATTGCCTCTTTGGTAGCCCTGGTGACTTTGGATAAATTCATATCAAT

>trans\_c\_3237 AY106073|Zea mays PCO116439 mRNA sequence

ATTCTAATTTCTATTTTAATTCAATCTCTGACTTTCAACAAAGCCTTCCTTTGCTCCAGTCTTTGGTCTTCGGGG  
CGAAGCTTCTTAAGCTCCACAACGCGGTGGCTACCGGCTGCCGGTGATGGCCGACGACAAAGCGCCGATCGC  
GATCGCCACCAGAGATAGAGAACGAGATCTAGAGCTTCTAATTCCCGTCGCTTCCTCTCCTAAGGACGATGCC  
TCTTGCAAGCCCTCGTCATCTTCATCATCTCGCAACAGACTGGCCGCGAGACATTTTACAGAGTCTTTAGGAG  
CTGGGCCTCAAAAAAGTTCATGACCGGATGTGTCAATTCTATTTCCAATTGCAATAACTTTCTATATAACATGGT

GGTTTATTCACCTTTGTGGATGGATTTTTCTCCGATCTACGCTCAACTTGAATTGATATCTTTGGTCTTGGAT  
TTGCAACATCTGTAACATTCATCTTCCTGTTGGGGTGTTCATGTATCATGGTTGGGTGCTTCTGTTCTGGCCC  
TTGGAGAGTGGTTCATCAAGCGCATGCCATTTGTTCCGCATATTTACAATGCTTCTAAGCAGATTAGTTCAGCT  
ATTTACCAGATCAAAACACCAAAGCCTTCAAGGAAGTTGCCATCATTAGGCACCCTCGTATTGGTGAATATGC  
ATTTGGGTTTCATCACTTCAACTGTCACTCTTCAGAGCTATTCTGGAGAGGAGGAGCTATGTTGTGTATATGTT  
CCACCAATCATCTTTACATTGGTGATGTTTTCTAGTCAACTCTCAGGATGTTATTAGACCAAATTTATCAGTTC  
GAGAAGGAATCGAAATCGTCGTGTCTGGAGGCATGTCGATGCCACAGATACTGTCCATACT

>trans\_c\_3238 AF198260|Lycopersicon esculentum diacylglycerol kinase (Dgk1) gene, complete  
cds, alternatively spliced

CTCTCTCATTTTTTTTCGACGATAACTCATCGTCTTCGCCTCTTCCTCAAATTCCTCTCTCCAAAACCTAGCTT  
CTCATGATTTCCACATTATAGATCTCCACTCCCTCCTTGGGTTATCCAATTACCCTAATCATGGCGGCCGGGTT  
CTCTGCCCTGGCCCTGGTTTTCCCGTGCTGCTCAGGATTCTTCCTCTCCCTCAAAGAAGTATGTCTTCGAGACCC  
AGCAGAGGATGACACCACAGGGATGGGCCATTGAGATGGGTGGCCAACTAAAGTTTGTTCGGTAATTGTGG  
AGAATCTCAACAAAAAACCGGACAGATTCTGTAGAGCTGGCATATTCTCATGAGAATGCTAAGTCAAAGGA  
AGGTTCTTCTGATTCTATTGCGGCTCTCGAACCCCTCACTGTCTGCGTGCGTTCATCAGGTATCCAGCCTGA  
CAAACAACGTATAGTAAAGAGAATAGCTAACTGTACTTGAACGCCTCAAGAATGAAGTACAGGTTCTTACGAT  
TGTTGTTCAACATATTTGAACTACAATAAATTGAACTAGTTGGGTTGCATCAAGATTTAAAAGAAGTTGAGA  
ATAAGGATTTCAGAACGTTAAGTACTTACTAGTTGTTACTGCAGTTGGAGTTTGCCTAAGAAATAGAACAAGC  
CTATATTAGGATTTCTCAATTGCTGCAAGAGTTTACCGCTTATTATTCTTTTGTATTCTTTAACACTAGAGACTT  
GTAACGGTAAAGATTATGAAGAGGGAAGGTATATGCGAGGACGTCGTGATTCCCTCAAGGTGATTCAAAATN  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3239 NM\_129991|Arabidopsis thaliana ATP binding (AT2G44270) mRNA, complete cds

GCCTTTGGCCTTTTCCTTCCCTTCCGGCTTCCACCGAATTTTACGGTTCGTAGTCGAACTGAGTTTCCCATCACCT  
TCCACCTACCAGGAAGCCAATCAAACCTGACAATGGAGGAAGCAGGTCCCAAACCCAAGAGGCCCGTCTCGTC  
CCTTTGTTGTTTATGCAACAACAGGAAAGCTGCTCTCGAGAGGCCCAAACCCCTCAACAGATATGCAGAGAA  
TGTTTCTATGAGGTCTTTGAGGAGGAGATTCAAGTTATTGTGAAGAATCAGTTGTTTCAGACCTGGGGAAC  
GCATTGCTGTTGGTGCATCTGGTGGAAAAGATTCTACCGTTCCTGCTTATGTGTTATCAGAACTGAATCAGCGG  
CACAATTATGGTTTAGATCTCTTTCTTTTATCAGTTGATGAGGGCATCACTGGATACAGAGATGACTCCCTTGA  
AACTGTGAAAAGAAATGAAATTCAGTATGGATTGCCACTACAAATTGTATCATACAAGGATTTATATGGATGG  
ACAATGGACGAGATAGTGAAAATGATCGGTTTGAAGAATAATTGCACCTTTTGTGGAGTTTCCGTCGACAGG  
CTCTTGATAGAGGTGCTGCATGGTTGAAAGTAGACAAGCTTGCCACAGGGCACAATGCAGATGATATGGCTG  
AAACAGTTCTATTAATATATTACGAGGTGATATTGCAAGATTGAGTAGATGTACTGCAATAATTACCGGTGA  
AGATGGACCAATCCAAGATGCAACCTTTCAAATACACATATGAAAAGGAGATCGTAATGTATGCTTACTTT  
AAGAAGCTGGACTACTTCTCCACCGAGTGCAATTTATTCTCCCAATGCTAATCGTGGTTTTGCTCGTGAATT

>trans\_c\_3240 NM\_103516|Arabidopsis thaliana ATRAB18 (ARABIDOPSIS RAB GTPASE HOMOLOG  
B18); GTP binding (ATRAP18) mRNA, complete cds

AGAAGAAAGTTTTTGAATTCAGAGTGTAGAGTCATTTCAAAGCTTTCTCCAATCTCTCTCGCTCTAATCATACCC  
AGTGAATCTTCAGATTACTATTTGATTCATGTTTGCTTTGCTCTTCTCTGTAATTGATTTGCTGTTTTGATT  
GATCGTGAAATTGATTGAAAGCTTGAATTTGTTGATTAAGGTGTTTCTAATGTCGTCCGCACCGTCTTCGAGTC  
AACCGGAGTTTGATTACTTATTTAAGTTGCTGTTGATTGGTGATTCCGGGGTAGGGAAGAGTACTCTTCTTTTG  
CGCTTTACCTCTGATTCCTTTGAGGATCTTTCTCCAATATTGGTGTGATTTCAAGATCAAGCATGTTACAGTT



GGGGGCAAGAAATTGAAGCTTGCAATATGGGATACAGCTGGGCAGGAGAGGTTTCGAACGCTAACAGGTTC  
ATACTATAGAGGAGCTCAAGGAATCATTATGGTGTATGATGTGACACGGCGAGAGACATTCACAAATCTATCT  
GACATATGGGCTAAAGAAATTGATTTGTAACAACATCAGGATTGCATTAAAGATGCTTGTTGGAAACAAAG  
TGGATAAGGAAAGTGAACGTGTCGTCAGCAAAAAGAGGGAATTGACTTTGCTCGAGAATATGGATGTCAAT  
TTCTTGAATGCAGTGAGAAAACCTCGGGTCAATGTGGAGCAATGCTTTGACGAGCTTGTTGTAAGATATTGGA  
CACCCCCAGTCTTCTGGCTGATGGCTCAACAGGTTTAAAAAGAATATCTTCAAAGAGAAACCTCCCGAAACG  
ACCACTACGGCTGGTGGCTGCTGCTCGCATTGATTTATATACTAAAAAATGTANGAGGATTCTCATTT

>trans\_c\_3241 Novel Gene

TTCGTTCTTGCCGTCCCCTTCATCGTTCCAGAGAGAGGGAGAGAGTAAGTTGCAATAGTAAAACATGAAGA  
CGATCCTCTCATCTGAAACCATGGATATCCCCGACGGGGTGAAGATCAAAGTGAACGCCAAAATCATCGAGGT  
CGAAGGGCCTAGAGGGAAGCTCGTTCGCAATTTCAAGCATTTGAATCTCGATTTCCAGTTGATCACTGACGAG  
GATACCGGAAAGAAGAAGCTGAAGATTGATGCATGGTTTGGCTCCAGGAAGACTTCCGCTGCCATTTCGCACC  
GCTCTTAGCCATGTTGAGAATCTCATCACCGGTGTACCAAGGGCTACCGGTACAAGATGCGATTTGTTTATGC  
TCACTTTCCCATCAATGCTAGCATTACCAACTCCAACAAATCCATCGAGATCCGAAACTTTCTTGCGAGAAGA  
AGGTGCGGAAAGTAGATATGCTTGATGGAGTATCTATTGTTGATCTGAGAAAGTCAAGGATGAGTTAGTCTT  
GGATGGTAACGATATTGAGCTTGATCTCGATCTGCTGCCTTGATTAACCAGAAATGCCATGTGAAGAACAAA  
GATATCAGGAAGTTTCTTGATGGTATTTATGTTAGCGAAAAGGGAACCGTCGTTGAAGAAGAGTGATGAAAG  
AGTAGTTTTGTTCAACCATGCATTGGCGTTCGGTGATAGTTTCTTTTATATATTTATATCAAATTCGTAGACAA  
AATCATGAGAGCTGGTTTTTGAAGGGACAAAATTTATCGTAAAGCATTTAGTTGGACACCAATCGTAATGGGC  
GATGGAGTAAATGCCAGTTTTCAATGTTTGGGTTTGTGTGGGATTTCAGAAGAACCTATGGTGTTCCTCAC

>trans\_c\_3242 AY054243|Arabidopsis thaliana AT4g22740/T12H17\_130 mRNA, complete cds

GCTTTTCATTTTCCTGATTGGTGAGTCTCCGAACGGTTCAATCTTTCCCCTCCCTTAATCCGTATTACCGGAAA  
TTTCTTTCAAGCGATCGTGATTGAATTATTCAGCTCAGCGGAGTAATCCTCTTGAATTTTCGCCAATTTCTCCTC  
TGTATCTTGTTTCGCTGAAGGGTATTTTGTTCCTGTGAATTGTAACGATGCATAGAAGGAGCAGAGGGGGGAA  
GGATGAATTTTTGATTTTGGTGACCCTTTGCTGGGTTTGGAGGCTTTCCGGGTCAAAGAAGCTTAATTTCTG  
GTTTCTTTGGTGGAAGGGATCCATTTGATGATCCTTTTTTCAGAAATCCATTTGGAAGTATGTTTCGAGCCGAGC  
TTCTTTGGTGGTCTGGAATTCCTTTTGCAATATGCAACCATCTGGATTCTTGATCATTACAGACCCCTGAGCC  
AAAAAGACCAAAGGGTCCAATTATTGAGGAATTAAATTCAGATGATGAAGAACGATCAGGAAAAGAGAGTA  
GAAATCGTAAGAATTCATCCAAAAAGCCTCTTGTTGAAGACCCTGATGATGAAGAGAACAGGAACCTAGCTTT  
GCAGCTCATGGATCATCGTGGTGGACAAAATCACAGGCATATCCAGCCCCAACTAGTAGCTTCACATTTAG  
AGCTCCTCTGTAACCTATGGAGGCTCAAATGGGACATATTATACTTCATCAAGAACAAGGAGGGCAGGGAGT  
GATGGTGTGTCTTTGAAGAAAGCAAGGAGGCTGATACGGCAACCAGACAAGCAACTCATAGAGTTTCAAGG  
GGAATTCATACTAAGGGTCATTACAGTCACAAGGAAACTGAATCCTGGTGGTAAAGTGGATACCATGCAAA

>trans\_c\_3243 EF194055|Populus tremula xyloglucan endotransglycosylase/hydrolase precursor  
XTH-39 mRNA, complete cds

AACTAAATTAAGAAAAATTGTAAGAGAAATGTGTCTACATAAGAACAGCTCAACATACTCTGCTCTTTCTAACA  
TCCCATTTCAATTCCTTTGTCTCTCTTCACATTAACATCTTTTGGCTCTCTCTCTCTTCTCTCACTCATAGCTGT  
AGAGAGCAAAGTATTATCCAAACCCCTCTTTTTTCTTCTCCCATTCAGTTTCAAACCCACTAAACCAAAA  
ATCATTAACTGCCATGGTTTTCTTTCGAATTCCTTTCTCTTGTCTCTTTTCTCTGTTTTTCTCACTTCTTGTTTC  
TGGGTCTTCGAGGAATTTCCCGATTCTCGACTTTGAAGAAGGTTATAACCCTTTATTTGGTGATGACAATCTCG  
TCCTTCTCAAGGATGGCAAGTCAGTTCATCTTCATCTTGATGAAAGGACTGGCTCTGGGTTTGTCTCAAGAC

CTTTACCTTCATGGGTTTTTCAGTGCTTCCATTAAGTTGCCTTCTGATTACACTGCTGGTGTGTGGTTGCCTTTT  
ATATGTCAAATGGAGACATGTTTGCTAAGAACCACGATGAGATAGATTTTGAGTTCTTAGGGAATATTAGAGG  
CAAAGATTGGAGGATTCAAACCAATATTTACGGGAATGGAAGCACAAGCATAGGTAGAGAAGAAAGATATG  
GGCTTTGGTTTGATCCATCTGAAGATTTTCATGAATACAGCATCCTTTGGACCGAATCTCTCATCATCTTTTATG  
TGGACAATGTTCCCATTAGAGAGGTGAAAAGAACGGCAACAATGGGAGGTGATTTTCCTTCTAAACCAATGA  
CTTTGTATGCAACAATCTGGGATGGATCTACTTGGGCTACCAAGGGAGGAAAAACAA

>trans\_c\_3244 XM\_002883059|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AGAGTTTCTATCAAGGACGGTCAATGTGGGGAGGCAGAGGCTATTGATGTTGGAAGTCAACCAAAGGACTTG  
ACTCTTGCTGCTCTTTCTCCTGAACCTGCTTTAGTTTCAATTGATTTCGGGAGTCGTCTTACTGCGTGGCTCAAGC  
ATAGTGTCAACCATCAACCTTGGTTTTACCGTGACAGCATCTGTACTTGACCTGATGGAAGTGAGGCTATCAT  
AGGTGGACAAGATGGTAAGTTACATATTTATTCCATCAATGGCGACTTGCTCACTGAAGAAGTAACCTTGAG  
AAACATAGAGGAGCTATTAGTGTGATACGCTACCCCCAGATCTTCAATGTTTGCATCAGGAGATCTCAACC  
GAGAAGCTGTCGTCTGGGATCGTGCATCTCGAGAGGTTAACTTAAGAATATGTTGTATCATACTGCTCGGAT  
AAATTGCCTCGCCTGGTCTCCCGATAACACTAAGGTTGCGACTGGTTCATTAGATACATGTGTTCATCATATATG  
AAATTGACAAGCCAGCATCCAACCGTCTAACAATAAAGGGAGCTCATTTGGGCGGGGTGTATGGACTGGCCT  
TCACAGATGACTTTAGTGTTGTAAGCTCCGGTGAGGATGCTTGTGTTGCGTGTGGAAGTTGGTTCCTCAGTG  
ATATCTACGGGATAAGGAGAGACTATGGATGTCAGAAATATGATGTTGAGGGTGAATATTTTGAGTTGCTGG  
GTTTTGTTTTGTGAGCTTAAACTAAATTTGAGTTTTAAGAGCCTTGAGACACCTTGCTGTTTCTATAGAATG  
GTAATGCTTTGAGCTTGTTGCAGCTTGAATTGGTTTTTGCTTCCCTTTGTTGTTTAAAGTTGATTTTT

>trans\_c\_3245 Novel Gene

TCGTAATTACATTTGATCCGCCACTAGCAACCAGTCTCGCTCCCCGAACTCTCCCCTTAAGATCGGCGTTCAC  
TGAAACTGGATTTTGCGCTTTCCAATCTACGTTCTTCCCACACTTAATCCCTATTACAACCATATTTATACTCA  
TTTCCTTCATAATTCTTCAAAATTTGGGTAGATCGAAAGACGATGGCAGCAATTTACAGCCTCTACATCATCAA  
CAAATCTGGTGGTTTGATCTTCTACAAGGATTATGGGTCTGCTGGACGGATGGATACGAACGATAGTTTGAGA  
GTGGCGAGTTTGTTGGCATTCTATGCATGCCATTTCCAGCAGCTTTCGCCTATAGCTGGTTGTTGCGGTGTTGA  
ACTTCTTGAAGCTGACACCTTCGATCTCCATTGCTTCCAGTCACTCACTGGGACAAAGTTTTTTGTTGTGTGTGA  
GCCTGGGACTCAGCATGGAGAGTCTTCTGAAGTACATTTATGAACTATACACAGATTTTGTCTTGAAGAATC  
CATTCTATGAGATGGAGATGCCTATACGGTGCGAGCTCTTTGACATCAACCTAGCGCAGGCAGTGCAAAAAG  
AACGTGTTGCTTTGCTTGGCCGATGAGCTTAGGATATCCTTCATTTTGTGAGTATTAAATCAAGAAAAGGAGG  
CTCATGATATTATTGTGCAAAATACTTGATAATTTACCATCCTTAATGCTAAATGTACTCCGTTCTAGTGAATC  
ACGTGAGATTTGGTGGAAAAAGAATGTTTCTTTTCATTGGTCATCAGGAAGTCAGGGTTAATTTTATACCCATT  
TTTTGTCAATTGTATACAGATGTGGATCCAGTTAAATGACAGAGCAATGTTATAAGCTTTTG

>trans\_c\_3246 FJ376601|Gossypium hirsutum cultivar Xu-142 cinnamyl alcohol dehydrogenase 3  
(CAD3) mRNA, complete cds

ATCCACCATTTTCAATTCTCTCTCTCTCTCTCTCGTTGAATTTCAATGGCTCAAACCACTTCCAATCACACTC  
AGACAGTCTCCGGTTGGGCAGCCCATGATTCTTCCGGCAAGATCACTCCGTATACTTTCAAACGGAGAGAAAA  
CGGCCCTGACGATGTGACCATAGAGATTTTGTACTGTGGAATATGCCATACCGATATTCACTACGCTAAAAAT  
GAATGGGGCATCACCATGTATCCTGTGGTTCCCGGGCATGAGATGACAGGGGTGATCACGAAAGTAGGAAAC  
AACGTGAAGAAGTTCAAATAGGAGACAAAGTGGGTGTTGGATGTATAGCCGCTACATGTTTGAAGTGTGAA  
TTCTGCCAAGATTCCCAAGAGAATTACTGTGAAAATTTACAGTTCACGTACAACGGAATCTTCTGGGATGGCA  
GCATAACATACGGGGGATACTCCAAAATGTTTGTTTCAGATCAAAGGTACGTTGTGCACATACCGGAGAGCCT

ACCAATGGACGCAGCGGGCGCCGTTGCTATGTGCGGGAATAACCGTGTTTACCCCGATGAAAGACCTCGGTCT  
GATTGATTCGCCGGGGAAGAAAGTGGGAGTGGTGGGGCTCGGAGGGCTAGGCCATTTAGCAGTAAAATTTG  
CAAAGGCGTTTGGGCACCATGTGACAGTGATCAGTACCTCTGCTTCAAAGGAACAAGAAGCCAAAAAAGAC  
TTGGGGCTGACGAGTTCATAGTCAGTAAAGATTCTGAACAAATGCAGAATTACAAGAGGACGCTTGATTTTAT  
ATTGGACACAGTGTGAGCACAGCATTGCATTGGACCAATCTTGGAGCTGCTAAAAGTGAATGGGACATTGTCA  
ATT

>trans\_c\_3247 NM\_001073061 | *Oryza sativa* Japonica Group Os12g0264500 (Os12g0264500)  
mRNA, partial cds

AGTCTGGTAGCTGAATCGTAAGCTATTTGGCTTCCACACACACTTTGTTTCCTTTTCACTTCATTGAACGAGACG  
ATTTGCGATCAATGGCATCTTTGATTCTACCCGAAGTACGAGGATCAGGTTTTAGTGGAAGAGAAGCGGTT  
CGTGAGATTATTGACTTTAAACCGAACTAAGCAGTTGAATGCTCTTTCATTGACAATGGTTTCCCGGCTATTAG  
AACTCTTTGTTGCCTATGAGGCAGATCCCAGTGTGAACTTGTGGTTGTCAAGGGGAAAGGAAGAGCCTTTTG  
TGCTGGGGGTGATGTCTCAGCTGTGGTTCATGACATAAAAAGGGGTGATTGGAAAAAAGGTGCTTATTTCTT  
CCAGAAAGAGTTCACCTTCAATTATTTGCTAGCAACTTTCAGCAAGCCACAGGTTTCTCTACTTGATGGTATTGT  
CATGGGAGGAGGCGCGGGTGTTCATACATGGTAGATTCCGTGTTGCGACGGAGAAATCGGTGTTTGCAAT  
GCCTGAAACTGCTTTAGGGCTCTTCCAGATGTCGGTGCTTCTTACTACTTGTCAGACTCCCGGGGTTTTTTG  
GCGAATATGTTGGGCTAACAGGTGCCAGGTTAGATGGTGCTGAAATGCTCGCATGTGGCCTTGCTACTCACTT  
TGTCATTCAGAGAGATTGACGCTCTTAGAGGAAGCACTTTCAGAGCAGATACAAGTGAACCAAGCATCATT  
TCATCAATTATTGATAAATTTTCCCAAAGACCAATTCTGAAAGAGCAAAGTGTTTATCACCGGTTGCATGTTATT  
GACAAGTGCTTCTCTCGAAAAACAGTTGAAGACATATTGGCTGCTCTTGAAGATGAGGCACTGAAAA

>trans\_c\_3248 DQ205339 | *Brassica napus* hairpin-induced 1-like protein NHL18B (HIN1) mRNA,  
complete cds

ACTACTGATCGGAGAGAGAGAGAGAGATAGTGAAAAAGAAAACCATCAACGACTTCAAACTCATCTTCTCT  
CTCACACCCTCACCTCACCTCACCAACATGTCAAAGGAATGCGTTCACCACAGCAAGAAACGCCCAAAGCTA  
ATCCGTGCAATCTACGCCGGAATCCTCATTTTTCTTCTCTCGTCTCCTCACAATCCTCCTTATTTGGGCCATT  
TTCAACCTACAAAGCCCAAATTCGTCATCCAAGACGCGACCGTCTACCTCTTCAATATCACCGCTGCTAACTTCA  
TCTCCTCCAGTATCCAAGTACCGTCTCTTCCCGCAACCCCAACGACAAGATCGGAGTCTATTACGACCGCCTC  
GACGTCTACGCCGTTTACCGTAACCAACAGATCACTCTCCGTACCGGCATTCAACCTACCTACCAAGGCCACAA  
CGATCTCAACATCTGGTCTCCCTTCTCGTCGGTAACTCCGTTCCGATCTCCCCCTACAACGGCGCCGCCCTTAA  
TCAAGATCAGGCCGTTGGTACAGTCCAGTTGTCCATTAACTCGACGGTCGCGTCCGATTCAAGGTCGGTACC  
TTCATCTCCGGCCGGTACCATCTCAACGTCGACTGTCCCGCGGCTATCATGTTCCGAAATCCAACCGCCGGTGT  
TATCGTGGGTAATAACGCCGTTAAATATCAGTTGGTGCGGCCGTGCAGCGTTAGCGTATAAGCAACCTCCGTT  
ATTGCCGTCAGAATTCTTGCTCTCCGTTCTCTCTCGCTCTTAACGCCGTTAGTTTTCTACTTTTCTCCATTTTCTC  
TCCTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTAATATAAATAATTTAGACAATACGTGGTTGGGATAAA

>trans\_c\_3249 Novel Gene

ATTTTCGAACCAAATTCGTGATTCTCCATAGAGCATTTGCCGGAGTTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTACCTT  
TAATTTTCTCTCTCATCAATCGGTTTCATTGAATGTTTAAGCAAATGGTTGGAGTAGAATCCAATCCATGCTAG  
CTTTTCAATCCTCAAAGCAAATCTAGGGTTCGGTATTTGAAGTATTTTCATCAATTTTTCTCAATTCGTTTTTC  
CCCCAAATCGATCGTTATTCCTGTTGATCAATCGCACCTTCTGTTGGTTTCTTCTTTTCCGGCTACCGGGACGGT  
GGCGACTTCTGTGAGAATTTGTTGTCTGTGTTTCTCCATCGAGATCTTCTCCGACTTTTGTTGTTTTTTTTTTT  
TAATTAATGGGGTTTTTGTAGGAATGAATGTTAGGTTTTCACGATGTGGGTGTTAATTGTTTGTGTATAATC

ATGTTTGTGGTTGAAATTTGTCTATTTGGGGTGAAACGGGTGTAGATTGCTGGTTTTTTGTTTATGTATTCG  
AGATAATTGTTGTTCTTTGGTTATTATTTTTGTTTATTGTAGTTTCGATTTTTGGGGCTTTTTTATTTGAGGCTA  
TGTATATTGAGGAACTGAAGGAGGAAGGAGAGTTGCAGAGTGGGGAAGAGGGAAATTCGGGTGTTATTGTT  
AGTAATTTGGAGAGTCAGAGCATTGTTAGGTCTGATGTGAAAAGGATCGTTGTTGGAGTTGGGGCTCGTGTA  
CTTTTCTATCCCACTTTGCTTTATAATGGTTTTAGAAATAAGCTTCAGACGGAGTTTTTCGTGGGGGGACAAGGT  
TGATGAGTTTATACTTTTAGGTGCTGTTCTTTCCCTGCCGATGTTCTCGTTTCGAA

>trans\_c\_3250 XM\_002887606|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing protein, mRNA

CCCTTGATCATAGTGATCGGCTTGAGGCCATTGTCTTAAGCAGCCGTTCTGCCTCCAATCTCATGAAGAGATC  
ACTAGAATGCACAGTTTGATTGCTCTTTCTAAGCTGATCAAATATCGAACAAATAATTGCCTTGGATTCTCAAT  
GGAGTGATGCATCTTCGAAAAGCTCTTCATGCATACCCAGCAGTAGTTTGATCAGGAACTTGCTTGGTTATCT  
TTTGCTGTCCAACGAAGAAAGGGATGACTATCACACAGCTACTAGGTGCTGCAACATGTTGTATGGTTTTGAC  
CAACAGAACAAAGGTCTGAAATCGGCATTTGAAATTCATGGTGCTGGAGCTGTGGCCTGCTATACAATTGGCA  
CGAGTCATCCGAGGTTTACTTTCCCAACATGTTCTGATCAGTGCCAGAATGGGATTGGGACCATCCGTCAACTT  
CAAAAATGCTTACGTCAAGAGCCGTGGAATTATGATGCTCGATATCTTCTATACTAAACATTCTGCAGAAGGC  
ACGTGAAGAAAGATTTCCCTGTCATCTATGTGTGACTATTGAGCGGCTAATCTTGATTGCCTTTTCTGATGAAC  
CATGTTTTACGAAAGATGTGTCTCATCAATATAAGAAGTTTCAGCTTCTACTTTGTGCCTCTGAGATCAGTTTGC  
AGGGTGGTGACCAAATTAATGTATCAACTATGCCAAAGCTGCTTCCTCTATTTCACTTCCTGAAATTTATCTTT  
TTTATGCACACTTGTTACTGTGCCGAGCCTATGCTGCAGAAAATGATTCTAACAACTTCGTAAAGAGTTTCATA  
AAATGTTTGGATTGGAAGACAGATAACTATCTTGGATGGGTATGTCTTAAATTCATTGCATC

>trans\_c\_3251 GQ862814|Citrus sinensis cultivar Pera ubiquitin-conjugating enzyme 13 mRNA, complete cds

ACCTCCGAAGCTTTCCCTTCGACTCTTTTATAATCTAGAGAGAGAGAGGAAACCTTTCTTCTCTCCACAATTTCT  
CTCTCTTCCTTCTCTAAACCTATCGCAACCTTTCCAATCCAACCTTCCAATGGCCAACAGTAATCTTCCCGA  
AGAATCATCAAGGAACTCAGCGTCTCCTCAGTGAACCAGCCCCTGGGATCAGTGCGTCGCCATCAGAAGATA  
ACATGCGATATTTTAACGTCATGATTCTTGCCCCGACACAGTCACCCTATGAAGGAGGTGTTTTCAAATTGGAA  
TTATTTTTACCTGAAGAATATCCTATGGCTGCTCCCAAGGTTTCGATTTCTCACAAAGATTTATCATCCGAATATT  
GACAAGCTTGGGAGGATATGCCTTGATATTCTGAAAGACAAATGGAGTCCAGCTCTACAGATACGAACTGTAC  
TTTTGAGTATTCAAGCTCTTCTGAGTGCTCCAAACCCAGACGATCCACTTTCCGAGAACATTGCCAAACATTGG  
AAAACGAACGAGGCGGAAGCTGTTGAAACAGCAAAGGAATGGACTCGATTATACGCAAGTGGTGCCTAAAG  
GGAAAGTGCAGAAGGCTTTTACTCTTTTCGGTTTAATAACATGAATCTAATGTGTCTATGGTGCCATTTGGTGT  
GGATTTTAATGAAATATTTGGAAGAATTTACAGTGTCAAATTTGTCTCTAAATTTGTAACGATCTCTAAATTTG  
CGTCTCTTTTGGCAGGAGTCTGTGCCCCATACTTTGTATGATGATATGATTAGATGAATTACATTCTTCTCTTA  
AGTTCTAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3252 NM\_112370|Arabidopsis thaliana exonuclease family protein (AT3G15080) mRNA, complete cds

ACTGTTTCCCGGTTTAGGGCCACCGGGAGAGAAGACGACCGAAGCGGCGGCTACTATTAACATGTAAATTGT  
GGGAGTCGGACGTTAAAGTGGGAGCTTCAACATTATGACATCTCAGCTCAAGAAGAACCCTAAACCCAAATTA  
CTCAACCCCAATTGGGAAATACTCCAACAAAAGCTGAAACCCCATGGTTCAAATCATTCAAAGGCCTCTACTGT  
CCAGAAATCCGAAGCTTCATCAAAGACCCTTTTAGGGAAACGCAAGGAAAGATCCGATGTGGAGTCAAATCA  
TTCCAGAAGAATATCCTCATTCCGGTGAATGATGACATTAGTCTTACAGATGAAGTAGCTATGGATTGTGAA

>trans\_c\_3253 BT010518|Arabidopsis thaliana At5g37070 gene, complete cds

>trans\_c\_3254 XM\_002874768|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATABC1, mRNA

>trans\_c\_3255\_X91787|L.luteus mRNA for tRNA-glutamine synthetase

AAGAGTTTTAACTCGGTTTCCTCCTGAGCCAAACGGTTATCTTCATATTGGTCATGCTAAGGCAATGTTTGTGG  
ATTTTGGCCTTGCTAAAGAGCGAGGTGGAGGCTGTTATTTGAGGTATGATGACACGAATCCAGAAGCTGAGA  
AGAAGGAATATATTAATCATATAGAAGAGATTGTCAAGTGGATGGGTTGGGAGCCTTTCAAGATTACTTATGC  
TAGTGATTACTTCCAAGAACTTTATGAATTAGCTGTGGAGCTCATACGGAGGGGTCATGCTTATGTTGATCATC  
AGACTCCTGATGAAATAAAGGAGTACAGAGAGAAAAAGATGAATAGTCCTTGGAGGGATAGGCCTATCGCTG  
AGTCATTGAAATTGTTTGACGAAATGAAGAAAGGTCTGATTGAGGAAGGCAAGGCAACTCTTAGAATGAAGC

AGGACATGCAGAGCGATAATTTTAACATGTATGACCTTATTGCATATCGTATTAAGTTCACCTCCTCATCCACAT  
GCTGGAGACAAGTGGTGTATTTATCCAAGTTATGATTATGCACACTGCACTGTGGATTCTCTTGAGAACATAAC  
ACATTCGCTGTGCACCTTGGAATTTGAAACACGTCGTGCCTCGTACTACTGGCTGTTGCATGCTCTGGACCTTT  
ACCAACCATATGTGTGGGAATATTCTCGTCTCAATGTTTCAAATAATGTGTTGTCCAAGCGTAAGTTAAATCGC  
CTGGTGACTGAAAAATGGGTTGATGGCTGGGATGATCCTCGTCTACTAACACTTGCTGGTCTTAGGCGCAAAG  
GTGTTACATCAACTGCAATTAATGCTTTTGTTGAGGAATGGGAAATTACAGAAGTGAAGTGTCTTTTGA

>trans\_c\_3256 Novel Gene

ATTACCCACAATCCTAAATCCTTCTTTTTCTTCTTCCATTTCCCGTAAACTTCTGTTTCCCATAATTCCATCAATG  
GCGTCTCAATTTCCCTTTTCATCTCCCAGATCTGACCTTTCTTGTTTCCATTTCTGAATCTCCTTTCCCTTTTCAT  
GGGGTTCCTCTTTTTTTAGCTCTAACCCCGATCTTCTCCTCCAATAAGAGTTAACTCCAATGGAATTGTCATCCT  
CTGTTGATTCTCTTGATACCCACCAGGATTCTTTTCCCATCAACAAAGAATACGATGATTTTCCATTGGTTACTG  
TGGCGTCAAAACCTCTGATTTTGGGATCCAACCCGATAACAAGTTCCACTCGATGAGCGCATTGGAGATCTT  
GAGAGAAACGGTTCGGATTCTTCGTTACAATTCTACTGCGTTTGTGCTTATTGCCATTTTGGTCATTTGCCCTGT  
TTCCGCTGTGTTTCTATCCAATGTGTTAGTTGATGAGTCGGTTGTTAAATGCTGACTATTCGATTGATATTAGT  
TGCTAAGTCCAGTGGGCTTCCATTGATGCCTATCATTGAACATTATGCCAGAGATTTGCAGAGTCGATTCTTT  
CCTCAGCTATGTGTTTCCCTTTGTTTCTTACTCTTTCTTGGTATCTAAAGCGGCTGTCGTTCCATACGGTGGATTG  
TACATATGCAAAAAGAAGGTTTGAATTAGGCCTGTTTCTTGCTATAGTTCGTAATATATGGAATCGTCTTCTCTC  
CACGTATGCTTCGGTGTGCTTGCAATTGTTGGTTGCTTACAATGTTCTTGTTCTGCTTGGAGCTGTTTGCAC  
TACTCTTTATGTATTTGGGGTTTTTCGCCTGATCTATTTGTATCTGCTG

>trans\_c\_3257 NM\_106165|Arabidopsis thaliana methyladenine glycosylase family protein  
(AT1G75090) mRNA, complete cds

TTTTCTTCGTCGTTCTCCGCCCACGGTGTCACTGCTCTCCCTCTCTCGCCACGCCCCCTTCTGCTCTTCTCTGCCA  
AACCTACTCCCTCCCTCTCCCTTTCTTTCATCTCTTTCCCTTCTCTTCGTTTTCCATCTTCTCTTATCTTCCCTCT  
CCATAAATTCATTTTCAACTTCCTTAATTACTCCGCGGTGTACCAATTTTCACTGGGGGATATCTTTCTTAGTTCA  
CCAATGTCTGTGGCTACCAAGCTCCAATCCCACGCTAAACCGGCTTTGGAGCCCCGAGCTATTCTTGGACCTGG  
CGGGAACAGAGATAGGGCACCTCATAACCCGAAATGTAAACCGGAACTTTAAAGAAGACGGAGAAACAGA  
GCAAGGCGCTTCCGGTGATTTCTGAATTGGTTATTCGGGATAATGTCTCCGTCGGGAGTTCCTGCTCTTCTGAT  
TCTTTATCGAGTAATTATTCTGTCAAATTATTGAAGCCCTACGCTGTGAAGCCTGTTTCTGCCGGCGGTGACTC  
AAGCGCCACCACGACGTCGCTCGCTCTCGCTTCCGGGGAAACGCTGTGATTGGATAACGCTTCATTCCGAT  
CCACTTTACATCGCTTTTCATGATGAAGAATGGGGAGTCCCAGTTCATGACGACAAGAAGCTATTTGAGTTACT  
TGTATTATCACAAGCCTTAGCAGAACTCACTTGCCCTTGATTCTTAGCAAAAGAGATATATTTAGGAAAGTTT  
TGAATGATTTTGACCCATCTTCAATCGCACAGTTCAAAGAGAACGAGTTTACGACGCTAAAAGTAAATGGCAT  
CCAATCCTGTCTGAAACGAAGCTTCGTGCAATTGTAGAGAACGCTAACCAAGTACTC

>trans\_c\_3258 NM\_125711|Arabidopsis thaliana BT1 (BTB AND TAZ DOMAIN PROTEIN 1); protein  
binding / transcription regulator (BT1) mRNA, complete cds

ATGGAATTCATCTTTTAGCGCTATCACACGTTTACCTCGTTCCACATTTGAAGCATCGATGCACAAAGCACTTG  
GCTCGAAACTTGTCCATCCATACCGTTATCGATATACTCCAACCTCGCAAGAATGTGCGATGCACCGGATCTCTC  
ACTCAGCTGTATGAAAATGGTGTCCACCCACTTCAAGGCCGTTGAGAAAACGGAGGGCTGGAAGTTCTCTGCA  
AAAACACGACTCTTGCTTGAGCTTCAAATTCTGCAGTTCATGGAAGAATCCGAATTGAGGAAAAAAGATGC  
AAAAGGCACAAGAAAGAGCAGAGGGTTTATCTTCACTAAGCGACGCAACTGGAGTGTTAGAGCACATCTG  
TAAAGAAGGGTGCACAAACGTTGGGCCGCTGGACGTGGAACCCACAAAGAAGCAGCCATGTTCTAAATACTC

TACGTGTCGTGGAGTTCAACTTCTGATTAAGCACTTTGCAACGTGTGAGAATAGAGTCCACGGAGGAGCTTGC  
TGGCGGTGCAAACGAATGTGGCAGCTTCTTCGCTTGCATGCCTCCATCTGCCACCAATCCGATGCTTGCAAAGT  
CCCTCTTTGCAGACAATTCAAACAAAAAATGAAGCAAGAGAATATTGAAAAAGACGATGCGAAGTGGAAGCT  
GCTGGTGA AAAAGGTGTTGTCTGCTAAACAATTTCTTCAGTTTGTCTTCCAAAAGGAAGAGAGCAGTAAGG  
GACGCCATGAGCGCCGATTGCATCAAAAGCTTCCGATTACAATCCGATAGCTGTCTTAACAACCTAGAAAGT  
AGAAAGTAATGTTGTTTTGCTTTCTTAAAAGAAAAAAGGAGACTAGACTAGGACGAGCAAGAATATGTTGTT  
T

>trans\_c\_3259 U64925|Nicotiana tabacum geranylgeranylated protein NTGP4 mRNA, partial cds

AACCTAAAGAGTTCTTCTCCTCGTCTCTTCAAAGAATTCAACTTCCGCTTCTCAATTATCTACTCTTAAAAAAT  
GGGCGGGAGCGCTATAGAGGAAGATTGGGAGCTAGACCTTACTTCCCAACCAATGGAAGAAGTGCCCGAA  
CTGTGGTTTTAGTCGGTCGTACAGGTAACGGAAAAAGTGCTACTGGCAACAGTATTCTTGGAAGGAAGGCAT  
TTAAGTCGAGGGCATGTTCTTCTGGTGTTACAGTCACTTCTGAATTGCAGACAACGTACTGACTGATGGCCAA  
GAGATAAATGTTATTGACACGCCTGGGATGTTTGACTTTTCTGCTGGATCAGATTTTGTTGGCAAGGAAATTGT  
CAAATGTATTGAATGGCCAAGGATGGTATTCATGCTGTTCTTGTAGTTTTTTCAGTCAGGACTCGCTTTTCTCTG  
GAAGAAGAGGCTGCCCTTCGCAGCTGCAAACCTTTGTTTGGTAGCAAAATTGTCAACTACATGATTGTAGTTTT  
TACTGGGGGTGATGAACCTGAAGAAAATGAGGAGACATTGGAAGATTACTTAGGTCGTTTCATGCCCTGATCC  
GTTAAAGGATATCCTTGCCTTGTGTCAAAACCGATGTGTGCTTTTTGACAACAAGACTAAGGACGAACGGAGG  
AAGGTTGGACAAGTTCAACAACCTCTCTCCCTTGTTAATGGTATTGTAATTCAGAATGGTGGACTACCCTATTC  
AGATGAGTTATTTTCTGAACCTGAAGGCGGGGGCTATTAACCTCGTGATCAACAAAAGAGGTTGATTCTCTT  
GAAGGCTACACCAGACAGGAGTTGATGGGAGTTGAAGGAGCAGATGCACCGTTTCATATGATGAGCAGC

>trans\_c\_3260 NM\_126463|Arabidopsis thaliana magnesium transporter CorA-like protein-related  
(AT2G04305) mRNA, complete cds

TTTCTGATTTGGGTTTTCTTGTTCTTGTCTGGGATAGGGTTTTCGAGTTTTTTCAGAAGAACAAATACATGGAG  
CTTGCTGATGCGGAGCCTGTTGCTAATGGTGAATTGGATGAAATGGAGAGGGAACCTTCAGCGCGCCTTCTTT  
TGCGGGAGGCTGGTCTATCCCGTACACGTTTTCCGGGAATGGTGAGGAAGAGAGCTTACATATTTGATGGAA  
ATGGCGACTACTATAACAAGGAATGGGATCTTACTGAGGGTAGAGGAAAGGAGTTTTGTTGGTATCATGTAG  
AACTTCCAAAAGGAAATCAAAAACCTGGCCCAATCTGCTCAATATCTCATTGATGTTCTTTGCCACCTTTGAAA  
CTTCAAGATATTCTCTCCCTTGTAAGCAATGGACCTTTTTGCGGACATGTTGATGGGGCTCTTGCTTTAGAGTC  
AATTCACCTGGTCTGCATCTAGTGATTTTACATTCAGAATTGCTGCTAGAATTACTGAAAATTCTGTCATCACC  
GTGTCTTTGGGCCGTGTTCCGAGATTAGGATTCTACCGGTTGGTCAGTCTTCTCTCGGAGGTTCTAGTGT  
GGAGACACCCTCTCACTTTAGAGGTGAGCAGAGGGAAAGTGGGGGCATTGTGATTAGGGAGCATGTTCTTGA  
ATTCTTGTTGACAATGAATCACTCGGAGGAGGCTGATAATCCTGTGCCAGCATCCCTCTCAAACTTGTTGTTT  
ATATTATTGATACACATATGGATCACCTTCAAGATGTTGTGACTAAGCTTGAGATCGAGTTGGATTCTGTGGAG  
CTTGAAATGGATAAAGGTGGATTGCGCTTAAAAAACAATGCTTGATGACCGAAAATTTCCAAATG

>trans\_c\_3261 NM\_102335|Arabidopsis thaliana acidic ribosomal protein P0-related (AT1G25260)  
mRNA, complete cds

AACTCTTCAACCATATTTGATTTCTTCTCTCCCTCTCCATCGCCCCATTTTCGCTTGCCAGTTCACC  
TCTATACTCAATTTCTTCGCTTCTTATATCTCTCTACTGTTGCAAAACCCCATCTCAAGGTCTGTATCAA  
CTATCAAGGTTTTTTTTTTAGCAGCAATACAAGATGCCCAAGTCGAAGCGTGATAGACCAGTTACTTTATCAA  
AAACAAAGAAGAAAGGAAGGGACCACAAGAAATCAATGGTGGAATCGATCAGGCAGGCTGTGGAAAATTAC  
AACTCAGTTTTTGTCTTCACTGTTGAGAACATGAGAAACCTCAAGTTCAAGGAACTCAGGGAGCAGCTGAAGT

CAACTAGCAGATTGTTTTTGGAGCAAACAAAGTTATGCAAGTTTCTCTTGGGCGAAGTGCTTCTGATGAGATT  
CGGCCAGGCCTTCACAAGGTTTCTAAGCTTTTGCATGGAAATACTGGACTTTGCTTCACAACTTACCAAAAAGA  
AGAGGTTGAGAGGTTATTTAACGAGTATGAGGATTATGATTATGCAAGGACTGGAAGCGCAGCCTCAGAAAA  
GGTTGAGCTTAAGGAAGGTCCCCTGGAGCAGTTTAGCCATGAGATGGAACCTTCTCTACGGAAGCTTGGGTT  
GCCTGTTGTTTTGAATAAGGGTGTGGTGGAGCTTGTATCAGACTTCGTTGTATGCGAGGAGGGCAAGTCTCTA  
TCACCAGAGTCAGCCGGAATACTGCGTGCACTAGGGCTAAGGATGGCAATTTTTCGGCTGAATTTGGTTTGCA  
GATGGAGCCCCGGTGACTTTGAACTTTACATTGATGGACCAAAAAATTCTGATGTGGAATCTGCCT

>trans\_c\_3262 NM\_123014|Arabidopsis thaliana eIF4-gamma/eIF5/eIF2-epsilon domain-containing  
protein (AT5G36230) mRNA, complete cds

TTTTCTTTCTCCTTTTTCTCTCCTCTATTCTTTTTGGCCTCTCTCGGTCATCTTCTACCCACAACTCAAGCGAC  
TTTTACAGACTCATTATCTTCTCCGATCCTTACTCGTCTTGGTTTATGAGCTCGAAGGAGAAACCCACTCTTG  
GTGGCACGCGGATTAAGACCCGCAAACGGAATATTACGATACCGCTGGACCTGCGTCTTTTTCTGATGCAGT  
GGTCCAGATCTATCTGGATAATGCTGGTGATTGGAACCTATTGCCAGGAACATTGAGTCTTCAGAACTTGACT  
TCTCAAGATACGGGGACACCTTCTTTGAGGTTATTTTCACTGGTGGACGGACACAGCCTGGAACAACAAAACC  
TGATGAAGGAGAGCGCCATCCATACTCTATAATTGACTGTGAACCTAAACGTGAAGCCATTCTACCATCTGTTA  
TCTACATACAGAAAATTTTGGAGCGGAGGCCATTTCTCATTAAGTATCTTGAAAATGTTATGCGACGATTCTTG  
CAGTCGTTGGAGTTTTTCGAGGAAAATGAGAGGAAAAAACTTGCTATTTTACAGCTCTTGCCTTCTCACAGAA  
ACTATCAGGCCTTCTCCCGAGACTGTTTTTACGCCATTGCTTAAGGATAATCTCGTGGCCAAAGGGCTAGTTC  
TTTCATTTATAACTGACTTTTTCAAGGAATATCTTATGGATAATAGCCTTGATGATTTGATTTCCATCCTGAAGA  
GGGGGAAAGTGGAAGACAATCTTCTGGAGTTCTTCCCTCTGCTAAGCGATCTGCTGAGGGCTTTTCTGAGCA  
TTTCACAAAGGAAGGTCTGGTACCCTTGGTAGAATACAATGCCAAGCCCCGTGGGGTGTA

>trans\_c\_3263 EF464666|Gossypium hirsutum ubiquitin conjugating enzyme mRNA, complete cds

CTTTCCTTTAACAATCTTCTTTTAATTTATCTTACCGTCATTAAAACTCTTCTTTCTCTCTTTCTCTCTCTCT  
CTGCCATTGCATTGCGGAGCCAAACCCAAGCATGACCAGCTCCTCCGACTCCGCTCTCAAGGCTCTCAGTAAG  
ATTGCTTGCAATCGCTCCAGAAGGAACCTGTTGAGTGGCAAGTCAATCCCCCTGCTGGTTTTAAACACAAGG  
TCACCGATAATCTTCAGAGGTGGGTGATTGAAGTCAACGGTGCCCTGGAACCTCTATGCTAATGAAACCTA  
TCAGCTTCAGGTCGACTTTTCTGAGCATTACCCAATGGAAGCCCCACAGGTTATATTTCTGCATCCAGCTCCTCT  
GCATCCTCATATCTATAGCAATGGTCACATTTGTCTAGATATTTTATACGATTCATGGTCGCTGCAATGACTGT  
AAGTTCTATCTGTATCAGCATTCTCTCCATGCTGTGCGAGTTCCACAGCAAAGCAACGCCCTGACGATAACGATC  
GTTATGTAAAGAATTGTAGGAACGGAAGATCTCGAAAGAGACAAGGTGGTGGTTCACGATGACAAGGTGT  
AACTTAAGATCTTCCATTGTTATATGCCTGTGGCTACCCTTGTTTGAAGGTGGAAGAAGTAGAAAATGATTAT  
GGAAAAGAAAAAATGAAAAAATGAAAAACACAAGTAAAGTGGTAAGGCCTGGCATTGTAAAGGAAGATG  
AATTTGTGCTTTTTTACCAATGACTAAAAAACAATTTTCTTGTCTTCTCCTGCGGTGTTGGGTTATCCTTCTT  
GGGTGAGAACCTCTCTTGTTACAAAATTCATAAATCATCAGTAATGCCTCCTCCTTCCCTT

>trans\_c\_3264 DQ097733|Arachis hypogaea isomerase-like protein mRNA, complete cds

GGGAGCGAAAAACAAAAAATATCACATTTCACTGTCTTCTTCTGCTTCCAATTTTGACCCTCCCGGCTGCGTTCC  
GAGATCGCCCAACTTTTTTGAATCTGACGCCGAAAAATGGCAACGGCATAACGAAATCTTCTGAATGTCGGA  
ACCAAAATCATCGCCGTCGGCCGCAACTACGCTGCCCATGCCAAAGAACTTGGCAACGCCGTCCCTAAGGAGC  
CTGTTTTGTTTATGAAACCCACGTCGTCTTACTTGCAAATGGAGGGACGATCGAGATTCCTCACCTTTGAAG  
TCTTTGGATCACGAGGTTGAGCTCGCCGTCGTAATCTCCAGAGAGCTCGTGATGTTCTGAAGCGTCCGCCA  
TGGATTATGTTGGGGGTTATGCTCTTGCTCTGGACATGACTGCCCCGAGAAATCCAAGCTTCTGCAAAGTCTGC



AGGCCTTCCATGGACAGTAGCTAAAGGGCAGGACACCTTTACACCCATCAGTTCTGTTCTGTCCAAGACATCA  
ATCCCTGATCCGGATGATCTAGAATTGTGGTTAAAGGTAGATGATGAGTTTCGGCAGAGGGGGCTCAACCAAG  
GATATGATCTTTAAATCCCATACCTCATTAGCCACATAAGTTCCCTCATGACCCTTCTGAAGGAGACGTGAT  
ATTAACAGGAACTCCCTCAGGCGTTGGCCAGTGAAGGCAGGTCAGAAGGTGACAGCAGGGATAACAAATAT  
CATAGATGTTCACTTCAATGTGCGAAAACCGGAAGAAACCATAAACTTCTTCTCAAGTTTCAAGTTTCTACAAC  
CTATCTCAATTTTCAATAAATTCAGACTACTAACATTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3265 NM\_001074581 | *Oryza sativa* Japonica Group Os11g0544000 (Os11g0544000)  
mRNA, complete cds

CAGCAACATTAGTGATTCAAGGTGTTCTAAGACCTGCATTCAAGAGCAGACTGTTATCCAGAAGCATCT  
TTCCAGCCGCCATTTGAGTAATGGTGACATAAACGAGGCTCAGAACTTGAAGAGAACCTTGAAAGTCATGGT  
AGGATCAATCATCATGGTCATGAATCAAGTTCATCCAAAGATGGTTTAACTTGATGGATGCATTGGATGAAA  
GTATTCCAGCGAGTGAGGCTTCATTTTACCGGCTGGAGATGATAAAAGTTCAGCTATTTACAGGAAATTCACA  
CCCAAGCGACGTTGAAATAGAAGATCTCATGAAAGCTCAACCTGATGCGATTGCGCACTCGGCCGAAAAGAT  
TATTTCTCGTTTAAGAGCAGGTGGAGAAAAGACCACACAAGCGCTCAAGTCTCTCTGTTGGAGATGCAAGGG  
CATTCAAGTTGAGGAGGCAGTAATCAATGGTATCGATTCACTTGATTGATGTGAGGGTTTGCTCCGGAAC  
CAGGTCCAAACGTTGCGTTTGCTTTTGATACTCGAGCAACCTCAGAATTCAGTGCAGAAAAACAGCTGAACG  
ACTTGCTTTTCCCGAGAATTCATTCCAAACATCAAAAAATGAAACAAACATACCAAATGAATGCTAAACATTG  
TAAGCCTTCTCACTACATTACAATCTAATTATGGTTGTGTTTGGCTTTCTCAGGTTCAAGTTCCGATCTTTAATG  
TTTCAAAGCAGAATGGAAATAGGTAAATTTATTTTAACTGTTGATTCATTAGATTATGGATCTGGTGATTGCA  
AACCCGCAATCATTCTTCAATTTATTATCAATTGGCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3266 NM\_201732 | *Arabidopsis thaliana* zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT2G14835) mRNA, complete cds

AGGGAAGGGAAGGGAAGAGATCGGCGAAGCAAAGACTTGGCAATTTAGAGAGTACGGTGGGGGATGTTTG  
TTGTCTCTCCGCATAGACAGATACTTCCAAGCGTAATTCATCATTTTAATTTCTGCCTTTCAAGATCCATCTATC  
ATCCATGTCTTCAATTCTTAGTTTTCCATTCTATTCATTTCAATGGACCCCTCTCCTCGCCGGTTACTGCAATG  
GTGGTCTGCAAATGCCGCAAGGCCACGAAGTTGTATTGTTTGTTCATAAGGTTCTGTATGTGGAGAATGCA  
TTTGTTCCTCCGGAACACCAAATATGCGTGGTTCGTACCTATTCAGAGTGGGTATTGAATGGAGAATATGATTG  
GCCTCAAATTGCTGCCTGTGTCATGCTACACTCGTGAAGGAGTTGGTCTCAAACCACTCGATTGGGATGT  
TTGCATGTCATACATACGGATTGCCTGGTCTCGCATATCAAGAGCTTTCTCCATCCACTGCCCCTGCTGGATAT  
GACTGTCCTGCTTGTCTGTTTCGATATGGCCTCCGAAGAACTTTAAAGATTCAGGATCTCGTCTACATGCAAA  
GCTAAAGGAAGCTATCTTGCACTGGTCTGGAGAAGAATTTGTTTGGAAATTATCCAGTTGGATTTTCACCA  
ACAGAATCCACAGTCTCCCCCTGCCTTTGCCTCGGATCCCTTGGTTTCAACTTCAGCAGATACACATAACAAT  
AAGAGTTCATTAAATTCAGTAGCAAACATCGAGTCAAATCTGGGTGAAGGGTTCTCCGCCACAACCTGAAACGG  
GGTCTTCAAAAAAATATTGCAGATATTGTAAAGATTGAAATGCCTGGGTGAGAGGGGAATTTT

>trans\_c\_3267 NM\_111761 | *Arabidopsis thaliana* ATGSTU8 (GLUTATHIONE S-TRANSFERASE TAU 8);  
glutathione transferase (ATGSTU8) mRNA, complete cds

ATTAATAAAACAGACCCGCAATTGTTGTAAATAAACAGATAACTCTCCAAAACACATCTCTTGCAGAATTATAA  
GAAAAAAGAAATTAGTTAAATGGGGGAAAGACTTGAGGTGTTTGGTTTTGGCCAAGTCCGTTTAGTTTGA  
GAGTGGAAATTGGCTCCCAAACCTCAAAGGCATCCAATACCAATACATTGAGGAAGATGTATTAAACAAAAAGA  
GCGATTGTGGTGAAATACAACCAATTTACAAGAAGGTTCTGTTCTGTTCAACATGGAAAACCCATTTC  
GAGTCTCTTGAATTTCTGAATACATTGAAGAAACATGGAAACACGATCCCATCTTTCCCAAGATTGCCATGA

AAAAGCTCTTGCTAGGTTTTGGGCTGCCTATATCGATGGAAAGGTAGTGTCTACTTTAGGAAAAATTCGCGGA  
AGCAAAGGAGAAGAGATGGAGAAAGCTGTAGAAGAAGTAAAGGAGGCATTGGAACCACTTGAGAAAGAGC  
TTAAAGCAACAAATTTTTTGGGGGAGAAAAAATTGGGTTTTTGGACATTGTAGGCATTCTCATAGCCTTTTGG  
ATTCTGCCAGTGAAGAAGCTTTAGGGATTGAACTGTTAACATCCACAAATTTCCAAACCTAATACAATGGAT  
TGAAGAACTTGCCAACAACAATGTGGTGAAGGAGCTTATCCCTAAAAAGGATGACCTTGTTGCCCATTTTT  
AAAATTTTTAGGGAAAAACTAGCTAAGAGAGATCATTCAAGTTATATTTTTGTTTTATTTAAGTGAAC  
ACCCTCTAATTTGAGGGTAATAGTAAAATAATTTCTTCAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3268 XM\_002322478|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS51),  
mRNA

AAGTTCGATATGATAGTGTTGGATCTAATTTGTGGTTTCAATTCTGGACCCAGCTGACTTGATTGTTTGGTTC  
AACAATTTAATTCTGTAGTATTGATTTTTCTTCTGTTCTCTGCAGATTTTGGGGATTCTTCGATTCCAGTTTTTA  
CCAGTAAAGAAGGCAACTGCTTTAACTACTGCGGAGCATATTAAGAATTTGAGTCCTAAAATGTCTGCCTAG  
GAGTTCTTACTAGACTCCACTGAACCCAAGTACTGAAACGCTTCTGATACCAACTGCTAGCGGTGAATATATTC  
TTGCTTTGGGCTCATTTCTGATTTCTTAATGCAAGCATCTCACAATCGGCAGGCTTCATCTATGATCCATGAGAT  
GGATCCATACTATTTATCTCGTTTTACGTATTGGGAAACCACGTCTCTTCTGACGCAAGCAGCCAGGGAAACA  
GTGTTAACTTCTCTTCTATAAGGATCAGTTCTTTACTCTGGAGTCAATCCCGGCTACTGCTGATTTGAGTGGCT  
CTAATTCTCCTTCAGCTGGGAGTGTCTGTCTGCTAGGAGCCCCTTCTCACCTCAGGGTTCTCAATCATGCTCAT  
CGGACCAACACCATTCTTTGAGAACACATGTGGATCACCATTGAGTGGATGCTCTGTAACGATGATGACAA  
CGACATAAAGCACAAGCTGAAAGAATTAGAAATTTCTTTGCTGGGGCCTGAATCTGATATGGTGGATAGCTGC  
TACTGTTCTTTCANGGGTGGGGCGCATCAAGATGCTTCAGTGGCAAGGAGGAACTGGAAATCAGTGGTTGAA  
ATGATTCTAAACTAAATCTTCAGGACACTCTTATCCATTGTGCCCAAGCGATTCATGAT

>trans\_c\_3269 NM\_119042|Arabidopsis thaliana cyclin-dependent kinase-activating kinase 1At /  
CDK-activating kinase 1At (CAK1) (CAK1AT) mRNA, complete cds

TAATCGAGCGACTGCTATGGAGTTGCTACAAGATAAGTATTTACCAAGGAGCCACTTCTGTTCCCTTGTCGG  
AGCTTCACGTTCTTCGACCAAAAAGTGGGCAGGACGAGGATTCTCCTGCAGGATGGTACGACTACAACGAGT  
CAGATTCTGATATGGATGAAATCGGCCCCGATGAATGTTACCACCAATGCCACTGGTTACTCCATACAATTTGAT  
TGAGCCACAGTGATTGAGGTATTCCTTAATATTTGAACTATACTTTGTTTCGGTTAGTCCTCATTGCTTGTAAG  
GAAAAGCTTCCTTGGTAAATGTTGCATTGTGATCAAGCCATATCTTATCCTACAATGCCATTATCGCTCCCCATA  
CTTGATCTACCAAAAATGTCGGGCCGGTCATTCCGATACCTTTCTGAAGAATGTTGTATCTGAATCCCAATTA  
GGCTATTTATTATCCTACGATACCATAATCCCTCTTCAGTCTTCTACTTAAAACACCAAAAGCTTGGAGAACTC  
AGATGTGCGGAATAGTCATCCCGACGTCCTTCTGAAGGATGTCTTGCTGTTAATGTAATTTGTGTATAATTGC  
ACAAACAAAGATGTGAGTTTGCTCCCTCCCTTTCTTTCAAGGACCTCAAGTTTTTGTGTCTGCCAACTGGCT  
GCCACGACTGTGGCTCCTTGCTTGTTATGTTTATGCTTTTCTTGAAAATTGACATATTTTCAAGTTTTTG  
CTCTATTGTTATTGTTCTTTCTCCTTATTATCAGGTTGAGAGGGTAAGATAATAGCTTAATTATATGTATGAAT  
CTTGCCCTTAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3270 NM\_126148|Arabidopsis thaliana BT4 (BTB AND TAZ DOMAIN PROTEIN 4); protein  
binding / transcription regulator (BT4) mRNA, complete cds

CAACATTTTGAGATCACATATAAAATCCCAATTTCTCTCTCGAACCATCTCTCTCTCTCTCCACGTTCTGGGT  
TTTCTCTACACGGCTATCGGCGGACGCCATTTTCTTTTCAATTTCTTTTCTTTACTCGGTTCCATCATCAACCGTTA  
CGGAGGATATTTGGAAGGTTTTAGAGTTTTCGGAAGTAAATACATGGAGAATACAGAAAATATTTGCACGG  
ATTTAATCCCAATCCAAGCCAAAGCAAACACCATCCCGTTGCCACCTCCATTGCCTAAATCTGCAATCACTAGTC

ATTTTCAAAGAGTCGGGTTTCAAGCGAATCCTTGAAAGGGGATATAGCTGCGTTTCCACTGCGACAAGAG  
ACCTCTGGGACGGCCTCTTCGACGAAGCCTATGGAGCTGATGTTTATATTCATACGGATCATGGCGGCATTGT  
ATATGCACATGCTTATATCCTTGGTATGACTTCTCCCGTGCTAAAAGGCATGTTAAAGCAATCCAAGAAGTCTG  
GCAGGAAACGTTCAATATCGATCCATGGAGTTCCACCTGATGCTGTTAAAGTATTCATTAGATATCTGTACTCT  
TGCAGATACGAGAAAGAAGAAATGGAGGAATTTGTTTTGCCTCTGCTGATGCTGTCGCATGTTTATGTGGTTC  
CCCAGTTGAAGAGAGAGTGCGAGAGGCAACTGGGTCGTGGCTTGTTGACACTTGAAAATGTAGTTGATGTTT  
TTCAACTTGCATTACTGTGTGATGCTCCCGTCTTAGCCTTCTTGCCATCGTATGATCCTAAAGAACTTCAAAG  
CTGTTTCTTCATCCGAGGCATGGCAAGCAATGCAGCAAAGCCACCCAGTACTCGAAAAAGAGA

>trans\_c\_3271 DQ226867|Boechera divaricarpa isolate SLW-C-F05 mRNA sequence

ATTGTTAATCTTAATAACCTTATACCGAGGGTTTCTAAACCTGTCGAGAACCTTACCCGCCGGCGCCGATGAT  
TTATATAGCCTCACTGTAACCTTGATATATTTGCTGATCAATGGCGGCCTCATCTTCGGCTACGACATCCAATT  
CTTCTGATTATCGTCTTCTTCTCTCGCCGTCGTCGTCGCCGAGAACTCGTCGTGAAAAAGATCGGGACACG  
CTTAGGATTGAAAAGAAGTCTCGCTCTCATCCAAACGCCATCGAAGGCACCGCCGCTCCTCCTCGACTCTCT  
CTCTTCCTCAGACTCCGAATCCGATTACGCCCCGAAGCAATAGCTCTTCTGAAAGTGAGCCTGAAACATCAAGCC  
GTTGCAAGCGGCATAAGAAGAATGATAGAACAAAGAAGGATAAGGAGAGGGAGCGAAGTAGGAGTCATCA  
CCATAAAAGGCGTAACATAAAGCTAAAGAGAAACAACCAGAGGAGAGTAGTAGTCCTGTGCAGCTGTCTAA  
GTTTTTAGCACGGGAGAAGGATGATGGTACACGGCGAAGTGCCGTCTCTGGCAAAAAGATTTTGTTGAAACT  
TGACAAATCAAAGGAAGACAAAGCTGAGGAAAACAAAAGAAATGAATTGCTGAAATCTTGAACCTAGCTT  
TGACTAATGACCGTTTGTGTTGAAAATGAAGGTAAGAGGCATTGTTAGCTGCTGCATGAAAAAATAGAGTTG  
TACCAACAGTTGTGTGGTGATTATGTTGTAGAGACATTTAAGCCTTTGAACCTTCTCCCTTGATGTTTTGATG  
CCCATATGGATCAAGATCTGTTTTAATTCCTTATGGACAGGAGAAATTGAAATGAAAAATTATTTACTT

>trans\_c\_3272 AF372951|Arabidopsis thaliana At1g78070/F28K19\_28 mRNA, complete cds

TTTTTCAACACAACACACTTTCAGACTCTTCCTTTTTCTCTTCAATTTCCCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCT  
CTTCTCCTCTCCATTGGTGCCTTTCTTTGAACTTCAACTCAATCCTTCTCTATTCTCTCTGTCTCATTCTCCTTC  
ATTAGTGGTGCGAGGTTTGCTTGAGGTGATGGAGCATTTTCAGAACGACGATCTTGAGTATATTGTGGATG  
ATTATTATGAAGTCGATGGGTTTGACGACGGTCGTGTTTTCTCTGATGATGAATTTCATACTAATCAGAATACG  
GAGCACGTAGACTCCGACTTTGAGGACGATATTGATACAACGACGCCGAGGACGGATACCTCTGCTTTGGAT  
GTTAGGAATGGGAAAGATATCCAGGGAATTCCTTGGGAGAGGTTACCTTTACTAGGGATAATTATCGGGAA  
AATCGTTTGAGCCAGTACAAGAACTATGAGAGTCTGTGAGTTCTCGAGCGGAACTGCAAAAGGAATGCTTG  
CAAGTGAGAAAGGGGAATAGTTTTATGATTTCCAGTTCAATACGAGGCTTGTTAAGTCAACAATTGTTCAATT  
TCAGCTGAGGAATCTCTGTGGGCAACTTCTAAGCATGATGTATACCTTATGCAAACTACTCAGTAATGCACT  
GGTCTTCATTGCTTCGGAGAGGCAAAGAAGTACTCAATGTGGCTAAACAAATTGTTCCACTTTGAAACGCCC  
TGGACTCTCATCCAGTCATTGTCCAGAGTGCAAGTACAATGACAGTTAAGGAGAACTTAATCGTGGCT  
GGGTGGTTTCAAGGAGAACTAATTTGCAGTACTTGGATCATCCTGGAAGTTGCGTTTTGC

>trans\_c\_3273 Novel Gene

GGAGTGAGGGGCCTTTTCGGCATTAAAAGAGTGAGGGTTCTTAAGAAAACCCTAATTCACCAGAACCCTAA  
ACTTCGGTTCCTTCGCCGAGCAAACCAAGCAACCTGAGACTGTGGGAAGGAGCTCATCGGAGAGGAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAATGGCGAAATCCATGAGATCCAAGAGAGAGAAGAGGCTGAGGGCCATCAGGAGAGAGAT  
GGTTGACCCTTTTTACGACAAGAAAGAAGCCGCGAAGCTCGCTGCTCAAGAGGCTGCCCTTGCTGCCCTAAG  
CTTCCCGTGCGTTCTCTCTTTACCTCCAATGTCTCTACTATGGACGTTGCACTAGCCTCTACTTCTCCGCC  
CTGACGCTGCTATGGATGTGGACATGGATGATTGCAGTAGAAGCAACACGCTGAAGCCTGTAGGTGGAGTTG

>trans\_c\_3274 AY139811|Arabidopsis thaliana At2g01710/T8O11.12 mRNA, complete cds

>trans\_c\_3275 NM\_001125208|Arabidopsis thaliana CPuORF59 (Conserved peptide upstream open reading frame 59) (CPuORF59) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3276 NM\_001059429|Oryza sativa Japonica Group Os04g0444600 (Os04g0444600)  
mRNA, complete cds

GCTCCTTCTTCACACTCAAACTCTCGATTTCTCTATCGTCTCTCAACTTTCTCTCCGTCTCCCATCGCCCAAG  
ATCTCTCCTTCTCCGATTTGTTCTTCCCTCTCACTCCCGGCTGCTCTTCAAGTCTGAGTGGCTTACTTCAACTCT  
GTA ACTATGTCGACCTCTTACCTACCTGCCACTACTGAGTCAATTGCTGAGGCATTAGAAGCTAAGAATTCCTC  
AGATTCTATATCAATCCTTTACCGTGTTCTTGAAAACCCTTCATCTTCTCCTGAGGCTCTACGGATAAAGGAACA  
GGCTATAACAAACCTTTCGGATCTTCTCAGACAGGAGAATCGTGCAGAGGATCTTCGGAACCTTTTGACTCAA  
CTTAGGCCTTTCTTTAACTTGATTCCGAAAGCAAAAAACAGCAAAAAATTGTTGAGGAATCATCGATGCTGTGGC

TAAATACCAAACACATCTGATCTGCAGATTTCCCTGTGTAAGGAAATGGTGCAGTGGACACGTGCAGAAAA  
GCGAACGTTTCTTCGGCAACGGGTTGAGGCCAAGCTTGCAGCTCTTTTGATCGAAAATAAGGAGTACCCTGAA  
GCCTTAAATCTCCTGACCGGATTAATCAAGGAAGTAATAAGACTTGATGATAAGCTCCTCCTTGATAGACATAG  
ATCTCTTGAGAGCAAACCTCCATTTTTCTCTGAGGAACCTCCCTAAAGCGAAGGCTGCACCTACTGCTGCAAGA  
ACAGCTGCTAATGCCATATATGTTCTCCAGCACAGCAGGGCACTATTGACTTGCAGAGTGGCATCCTTCACGC  
GGAAGAGAAAGATTACAAGACTGCTTACAGTTATTTCTTTGAAGCATTGAANGCCTTCAT

>trans\_c\_3277 XM\_002312928|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T1.2), mRNA

TCCTGACGGAACACCCGCTGGCGGAGGCTTGCTCGTCATCATGATCCATCAAGCGGAAGATGTGGAAGGGAA  
GCATCATACGAACCCCTACGTCCGTTTGCTTTTCAGAGGAGAGGAGAGAAGAATAAGCATGTAAAGAAGAA  
TCGAGATCCAAGATGGGATGAAGAGTTTCAGTTTATGCTCGAGGAGCCGCCTGTCAACGATAAGATCCATGT  
GGAAGTACTTAGTGCCTCTTCAAGGATAGGCCTGCTTCAACCAAGGAACTTTGGGTTACGTGGACATAAAT  
CTAGCTGATGTTGTCTCAAACAAGAGGATTAACGCAAAGTATCATCTCATCGACTCAAAGAACGGTCGGATCC  
AAATCGAGCTACAATGGAGAAGTTCATCATAGGCTAGTAGCCATTCTTTCTTCCCCTTGATTTTTTTTTCCCTT  
GAAAACCTTTTCTTCTCCTTGAGGCTAAAAGTAACTAGTGATTCTTGTTAATGAAATGTTGATATGTTTAT  
GGTTTTATTTGATTTTGTCCAAACAAGATTGAATAATATCATGCAGAGTTCTTGTGTTGATTTCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAC  
GGGGCCACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAGGGGGCCCCGCCCCCCCCAAAAAAAAAATTCATCCCCCCC  
GCCCCCGGGGGGCGGCCGCCCTTTCCCCAAAAGAAGAGACCAATCCCCATCCCCCTTGGGGCCCTTTT  
TA

>trans\_c\_3278 XM\_002884577|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

AACCTTCAGAGGCAAGGATCGTCTCAGAGCTTGGGAAAGAGTTTGATATTGATGCAGTTTATAGTGGTGAATC  
ATCATTCATTGGAAGCCTAAATCCGTGGATGATTTCAATCCTGTCTGAAGTTCCCCCAGTTGTCCACCGAATT  
TTGACGAGAGTATGCAAGAGCAAGAGAATGAGAATGCTCAATCGTCTACGCAAGATGACGAAATCCTGGAGA  
ATAAGATGAATAATAGCGAGGACGAGTCCATGGAGCAGGAAGAAGATGGCAATGGCGAAGGCGAAGGCAA  
AGGCAAGGGACAAGATGCAACTAGCAGGCAGAATGAGAAATTGTATTCAGCAGAAGGTATTCTAAATACGAA  
AATGAGGAGAGCAGAGAAGAAGCAAGGAAAAAAGTTAACAAATCATCAGTGTCTACGGATGCAATGGAAG  
ACGATGACTATGACTTTAAAGTGGATTTCAAAAAGAAGTGATTGATTCCCTAACAGGAAAACAAGAATTACGA  
CATGATTAGAGGGGATAGATTGGTTGCCATGGAAATCAAAGCTAAGGCTGTAGATTCAAAGTTTTGTTTTAT  
GACTTCTATTTAAATTCACCTTTTTTTTTCAATAGAATTTTTGCCCTCTTAGATTTTTGGTTCTAATGTAAGCA  
AATTTTGTGGCGAGTATACAAGCATATTGGAAGTGGAAAAGTCTGCTTGTCCAACCTCGTATTGGGTTACA  
AAATTATAGGTTATATTTTAATAATTATTTGTTTTATTGTTGTCTAATTGTAGACCATGTTTACAATGAGTGT  
AATTGGAACATGAATCATAATAATAGGCTTGAATTCGTAATCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3279 NM\_001066703|Oryza sativa Japonica Group Os07g0595800 (Os07g0595800)  
mRNA, complete cds

ACAACACTGGCGCATTGATTCACCATTCTCCCGCGCACACAGCTGCCGCTTGCCGTTGTTGCCGTTAGCTCCAC  
TTCTCTCCCGCTCACTTCTATGACTTCATTCATCTCTCTCGCCGATGCCTCTGCGCTCCATCTCTAATAAATCTC  
CTACCCACTTAGCTGAAGTGGAGGACAGAAGTTCTGCCATTTTGTTGTTTATACTATTTTGAACACCCACA  
AGGCTGTTACGATCAGTTGTTATTTATTGATCATGGATGTAGGAACCGATAGCTTTTCGGAATGAGAAAGTTCA  
ACGGTTCGAGGAATTTGTTGACCGTCGCTTGAAACCTGATTTGGTGCATGCAATCGCTGAAAGAGATAAAGTG  
TTTGAGCAGCAGAAAGTGTCTCAGACCTTCGCCGGAACATTGAGAATTTGGAGAAAAATAGTATAACTAATC

TCAGAACGTTGGTCAATCTTGGCTCTGAAGTCTACGTACAAGGCGATGTGCCAGATACACGAAGCATATTTGT  
AGATATTGGAAGTTGGGTTTCATGTGGAGTTCACATGGTCTGAAGCTTTGAAATTCATTTCTCTCAAAGAAGAAA  
GGTTAACAGACAGATAGAAGAGTACACTCAATTAATTGCATCAATCAAAGCGCAGATCAAGTTGGTTTGTGA  
AGGGATTCTGTAATTATTACAACCTCCAGCAGAGAGGACTGTGGAAGGACGAGTCTTTTGAGTTTCTTTCCTG  
ATAGTTCCTGCTTTCCTGGGGATGAAGATGGTCCTGAATCAGTATAGTATAAAATCCTTAATTTTGTATGCTCTT  
TGTAACAACTTGTTTCATCTTTTAAACCTTAAGGAAATATATACGACCCTTGCTTTTGTCTCTG

>trans\_c\_3280 NM\_128408|Arabidopsis thaliana RNA binding (AT2G28480) mRNA, complete cds

GTCAAAAGAGATCTAATTATGTACCTATTGGAAGAAGAGGAGTTTTTGGAGGTGTGATTCTAAACATGCACAT  
GCATTGGAAGAAACACGAACTGTAAAGTTTATTGCAAGCCTTGTAACCTGGGCAAGTGCATGAGTACGC  
ACAGGAAATTGCAAGATTGAGTGGAGGAATCCCAATACAGATAATTGGTGATGATACTATTATCTTCTATCGA  
GGGAAGGAATATGTGCAACCAGAAGTTATGTCACCAATTGGTACATTATCTAAATAACGGGCACTGGAAAAG  
TCCAATACGAGCAATCCCTTGAGTCTGTACGCCGCTTCATTGCCATTGCTGAGAAGGAACTGGAGCTATATTA  
CAGGCATATTGCACTTTATGGTGACCCAAATGATAGGAATCCATTGTCCATCTTAAATGTTCCATCTGACAACT  
TGAAGAACTCAGACAAACATCAAATTACTAAAATGGAAGATTCTCATTCTGCTGCTCTTGCCTAGAATCTGAT  
GTTATGAATCAAAGAAATCCCGATTTCTCGGATGACGAATCATTAGATATTGGAGATGAATTTGGAGATGCCT  
GCTTTTCTACAAGTGAATCAGATTTTGAAAGTGACAAATTAGATGAGTCCGATGATGGGAGGATAGAAGTTA  
GTGTTTCCAGACAGAAGAGATGTTCTCAACCACAATGAACACATGTTTCAGCTTTCCGGAACAAATGTGAATTT  
CATAAGCAAGAACTACCGATACACTCATAAAAATCTCATTAGACGGAAGTTTGATTTTTTGTTCAGCTTCAATA  
GACGTATTAGATACTATGATACAATGTGAAAACATGAGTTGATTTGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3281 XM\_002327053|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP82C10v1), mRNA

CTCATGTCCTCCCAAGTCCACCCAACCTCAGAAATGGAAAGGAATCCGATGGAATAAATATACCAAACAATCCA  
AAGAACTCTATTAACACATTTTGAAACTTTTCATTACCATACTCTATAGAGGAAAATCTCTTCCCAATCACCATC  
TTGAATATTGTATTCAGCGTTATGTCTGCCAATCTCTTTTTCATTTCCACCACAACCTTTTTCACCTTTGTTATTGA  
GCCTCCATAACTCATAAAGTTCTTTCATCCATGTCTTGATCTCAAATGCTCTTATGTATTGGAGCTGGTCCACAC  
GATGGTTTCGTCAGGAGTTCGAGTGTGGCTATTTTTCGTACATGGCGCCAGTGTGGACTGTAGGGGCTGAACC  
CCATCATGGCATAGTCATACGCAAGGAGTTTTGAGGCTACAAGCTTTGGACGAGACGCGAAGATTCTGTCGTT  
TGTCGTAAAGAACTCTTTTGCTAGTTCCCAATTGCTTACAATCAACGCCTCATTACACCAAACCTAAATGTGAA  
CATTGGTCCATATGCATCCGCCATTTTGCGAATGTTATGTGAGTTGGCTCACTTGCAATTAGTAGATGGAGGT  
GGCCAATCACTGGCCAAGCGCCACCAGCCTTCGGTGGGAGCCTCTTCCGTTGAGCGACGGATCTCCGGGACC  
AAGTGAAGAGAACATAGAAAAGGATGAGAAGAGGAAAGATTATCCGAAGAGGGTGTTGAGCTGTCCCATC  
TCATGTGCTGCTCATTCAAGAGTTTTTGAGTTTTAGCACTATGAGAAGGCTCTTGAACCCAAAACAAAATT  
AAGTCGAAGAGATTTTTATTGGAAATTGTAATATGAACTGTTCCAGTGATATGTAAACNGTACT

>trans\_c\_3282 BT014785|Arabidopsis thaliana At3g26510 gene, complete cds

AGGCTTGGAGAAGCAACTCCAAATCTTCTTCTCGGTCTCTTCTTCTCTACATTCCTAGTCCCTCCTTTTCAATC  
TAACTGAACCGATATCTTCGGCTTCAAACGAAGAGGAAAATGGTCGGAGCCTCCCACCGTACCGGCGGAAT  
CGCTGCCAGATCTGACAAAACCTGCGACTATCAAATTTCTCTGCAGTTATGGAGGCAAGATCCTTCCTCGTTATC  
CTGATGGAAAACCTCCGTTATATTGGTGGTGAACTCGTGTCTTGCCGTCGATCGTTCCATTCTTTCTCTGAAC  
TGTTGTGCAAGCTGGGACAATTGTGTGGAACGTGTGTGAGTCTTCGTTGTCAATTGCCTTCTGAGGATCTGGA  
TGCTTTGGTATCGATAACCTCCGATGAGGACCTAGCGAATCTCATCGAAGAATACGATCGAGCAGCCTCGCCG  
CCGCTCTTCTTTGAAGATCAGAGCGTTCCTTTCACTGCCTAAATCCGTGAAAAAAATCCTCTATCTAGTTCGTGC  
GCCTCTTCATCATCGTCGTCCTCAAACCTTCATCTCCAATAACTGCTATATCCTCTCCAAGGATCTCAACGCAG

GTTCTGACTATTGCGTCCATCAGATCCCAACGCCAGTGAGGTTTTCTGACCGCTGGAAGAAGTCTCAATCAAA  
GGTTCTCTACTGCTCGTATCATCTTCAAGGGAACCCTAGCCATATCTACCTCATCCACAATGGCAATCACTGGC  
AATAACACCAACTAGATTGAGGGAATTCAAAAGCAACATAAATATAAGATAAAACGAAATAGAAAAAAGGAA  
TTCAAAGCAACAAAAGGGTGTATGATGTAAGGAGATTGTATATGTCGCTAAGGATAGATT

>trans\_c\_3283 AY032884|Lycopersicon esculentum WD-40 repeat protein mRNA, complete cds

ATTCTCAGGGAGTTACGAGTGTTGTTTTCTCTCGTGACGGAACCCAGTTGCTGAGTACATCTTTTGATACCACG  
GCGAGAATTCATGGCCTAAAGTCTGGTAAGCTGTTGAAGGAATTCCGTGGCCATTCATCATACGTGAATGATG  
CAGTCTTTACTAATGATGGAGCACGTGTCATTACCGCATCTAGTGATTGCACGGTTAAGGTTTGGGATGTGAA  
GACAACCGATTGTCTGCATACATTCAAGCCACCACCTCCATTAAGGGGAGGAGATACCTCGGTGAATTCAGTT  
CATATCTTCCCCAAAATGCAGATCATATCGTTGTTTGTAAACAAGACATCGTCAATATACATCATGACATTGCA  
AGGGCAGGTTGTCAAGAGCTTCTCATCTGGTAAAAGGGAAGGGGGAGATTTTGTGCCGCTTGCTTATCACCA  
AAAGGTGAATGGATATACTGCATTGGTGAAGACAGGAATATGTATTGCTTCAGTCACCTATCCGGTAAGCTGG  
AGCATCTCATGAAGGTTTCATGAGAAGGACGTGATAGGCGTGAGTCATCATCTCATAGAAATCTCGTTGCTAC  
TTATAGTGAAGACAGCACAATGAAATTATGGAAGCCTTGACTCTTTTACCTATGCTATTTTACGTGTAAAACTC  
AACACTTTTTAAGTTATAATTGTATTCATTTATCTCGTTAGCAACTTAGTTTTCTAGATGGACTTTGGCATTATTT  
TAAACGATGATAATCCATGTATGGAATCTTGTGATGGTGTGCGTACGCATGCCCATCTGTGTAGAGTAAAGA  
TAAAGTGGTAAATCGATTTCCTACGAGTTGACAACCCACAAAAA

>trans\_c\_3284 BT008737|Arabidopsis thaliana At1g74320 gene, complete cds

AGTGGAAGTGTTTTTAACCGAGAAGATGAGATAAAGACATTTGAATTTATGTCAAAGCACGGGCAGGGACC  
TCGGCTTCTAGGGCGATTTTCAAGTGGCCGAATTGAAGAGTTCATCCATGCAAGGACACTATCAGCTGTGGAT  
CTACGTGATTGAGAAATCTTCTCTTATAGCTGTTAAATGAAGGAGTTCCATGATCTCAATATTCAGGTTCA  
AAGAATGTGTGCTTGTGGAATAGATTGCGAAATTGGCTAACTGCAGCCAAAAATGTTCCCTGCCTGAAGAA  
GCCAAAGCCTTTCATTTGGATTCAATGGAAGAAGAGATTTCTATATTGGAAAAGGACCTCTTGGGTGATCGTC  
AAAGTATAGGTTTTTGCCACAATGATCTACAGTACGGAAACATAATGCTAGATGAGGAGACTAGATCAATAAC  
TATAATCGATTATGAATATGCAAGTTATAATCCCATAGCCTTTGACATTGCAAATCACTTCTGTGAAATGACAG  
CTGATTATCATACAGATACTCCTCATGTTTTGGACCACACCAAATATCCCGTTTGCAGGAGCGCAAAAGATTT  
GTTCAAATATATCTGAGTGCTTCAGGTCATCAACCCAGCGATGCTGAGGTGGAGCAATTAGTCCAAGATGTTG  
AGAAGTATACTCTTGCTAGCCATCTGTTTGGGGCCTCTGGGGAATAATATCGGAGCATGTAAACGATATTGA  
CTTTGATTACATTGAATATGCGAGGCAGAGGTTTGAACAATATTGGTCTAGGAAACCTAATCTTCTGGCTCAG  
GAGAAAATGACTCGTGTATAGTTGGTGAGTTTTGTTTCATGTGAAATCAATAGGAACGTTTCGTTTT

>trans\_c\_3285 X69731|C.laevigatus chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase and promoter region

GATTTAAAAATAGCTTCGNCACAAATAGGCTTTGCCACTCTCCAACGCATAAATGGTTGGGAATTCACGTTTTC  
ATCATCTTTGGTAAAATCAAGTCCACCACGTAGACATTCATAAACTGCTCTACCATAATTCTTAGCGGATAATCC  
CAATTTTGGTTTAATAGTACATCCCAATAGAGGGCGACCATACTTGTTCAATTTATCTCTTTCAACCTGGATACC  
ATGAGGTGGGCCTTGAAAGTTTTAATATAAGCGGTAGGGATTGCAAAATCCTCCAGACGTAGAGCACGTAG  
AGCCTTGAATCCAAATACATTACCCACAATGGAAGTAAACATGTTAGTAACAGAACCTTCTTCAAAAAGGTCTA  
GGGGATAAGCTACATAAGCAATATATTGATTTTCTTCTCCAGCAACAGGCTCGATTCCATAGCATCGTCCTTTG  
TAACGATCAAGACTGGTAAGCCCATCGGTCCACACAGTTGTCCATGTACCAAGTAGAAGATTACAGCAGCTACAG  
CTGCCCTGCTTCTCAGGTGGAACCTCCGGTTGAGGAGTTACTCGGAATGCTGCCAAGATATCAGTATCTTTG  
GTTTCATATTCAGGAGTATAATAAGTCAATTTATAATCTTTAACACCAGCTTTGAATCCAACACTTGCTTTAGTC

TCGTGTTGTGGTGACATAAGTCCCTCCCTACAACCTCATGAATTAAGAATTCTCGCAACAACAAGGTCTACTCGA  
CATGAATTAGTAGTTAATGAAACCTTTTATAGGAATCCTTTCACAAAATTCTCAACTAATATTATCAACTAATCA  
GAATGGTTCGTTATTAGACCATAGTATTTTATTCACCAAATACGACGTCTTCATCCCTA

>trans\_c\_3286 FJ376655|*Lactuca sativa* phytoI kinase mRNA, complete cds

ATTCATCGTCGCTTACCGTCCCATCAGCCTGTGGCTGTGTAATTGCCGCCATGAGCCTCCTGGCTCTTAGCCGC  
CGTGACTGGATTTCGACCACCGCCGTCCTTTTTCCCTCTCCGTCGAACTGAAACAGCCTCGGATTCTACCTTTC  
CGAACTCTCCACCGTTTACCGCCGGTATTCCGGATTCTTCTTTCTCCTCTAGCCGCGTTTCACCTCCAGTACTC  
GCAGTGTCCAGCGACGTTTTGCATGATGCTGGCGCAACAGCGGTGTTCTCGTCGGTACCTACTCGCTTGTTTC  
GCGGATTTCGACAATCTCACCCGGCGGAATTTGATTGAGCAGAAATTTGAGCAGAAAACCTGTCCACATATTGTC  
CGGATTGCTTTTACAATGTCTTGGCCTATATTGAGCAGCTCAACGGAGGCTCGGTTCTTCGCTTCAATTGTTCC  
TAGTGTGAATTGCTTGAGGCTTGTTATCAATGGCCTCTCATTAAACCAAAGATGAAGGACTTTTGAAATCACTTA  
CTCGGGAAGGAAAACAGAGGAACTGCTGAGAGGGCCTCTATATTATGTTCTAATACTGATTTTGTGAGCTGT  
TATCTTCTGGCGTGAATCTCCAGTTGGTTTGATCTACTGGGAATGATGTGTGGAGGAGATGGTATTGCTGAT  
ATAATGGGAAGAAAGTTTGGGTCCAAAAGGCTTCCTTATAATCAGGAGAAGAGTTGGATTGGTAGCATTTCTA  
TGTTTCATCTTTGGATTTTGTGTTTCCATTGGAATGTTGTACTATTACTCGGTTCTTGGATATTTAGAGCTGGATT  
GGGTAAAGGCAGTGCAAAATGTTGCTTAGTTTCTCTGGTGCCACTGTGGTGGAGTCTCT

>trans\_c\_3287 EF207453|*Peridiscus lucidus* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAATACATGTCCTACCGCGACAGAATTTGTAACCTTGCTATCCTCTTGCCCTAGCAGGCAAAGATTTACCTCCGTG  
GAAAGGATGATTCATTCGGATCGACATGAGAGTCCAACCTACATTGCATTGCCAGAATCCATGTTGTATATTTG  
AAAGAGGCTGACCTCCTTGCTTCTCTCATGTTACAATCCTTCTCCACCGAGCCCCCTTCTCCTCGATCCACAG  
AGAAAAAATGGAGGACTGGTGCCAACAGTTCATCACGGAAGAAAGGACTCACTGAGCGGAGATCACTAACTA  
ATACTAATCTAATACTAATACTAATAGAAAGAACTGTCTTTTCTGTATACTTTCCCCGGTTCCGTTGCT  
ACCGCGGGCTTTACGCAATCAATCGGATCATATAGATATCCCTTCAACACAACATAGGTCATCGAAAGGATCT  
CGGAGACCCACCAAAGCACGAAAGCCAGAATCTTTCAGAAAATGGATTCTATTTCGAAGAGTGCATAACCGC  
ATGGATAAGCTCACACTAACCCGTCAATTTTGGATTTAATCCGGAATTTAGGTATCGGGAAGGAATTGGAAT  
GTAATAATATCGATTATACAGATACAGAAGAAAAGGTTCTCTATTGATTCAAACACTGTACCCGCGGGATAG  
GGATAGAGAAAGAGGAAAAAACGAAGATTTACATAGTACTTTTGATCGAAAAATCAATCTGATTTATTTTCG  
TACCTTTCGCTCAATGAAAAAATGGGTGAGATTCTACAGGATCAAACCTATGGGACTTAAGGAATGATCGAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGAGGGAAAAATAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3288 AY338488|*Medicago truncatula* cyclin T1 mRNA, complete cds

AATTCATCTTCTTCTTTCAACTACTCCTCTAACCTTTTCTCTTCAATTTTCTCCTCCCTCCATCTTCATAATCCTAA  
AATCCTTACTGCCAACAAGATCACGGACAACCTTCCAGGATTCATCTCTTCTCTTTCGGAAGAATGGCTCGTGT  
TCGGAATTTCAAGTCTCAAGGAGGAATGGTTAATGATGATTACTGGGCCACCCTGAATCGATATGATGTCAAA  
AACCACCATCAGGATACAAGTAGGAGCAGTTATTATGATTATGGCTATGGCAGCAACCATTTTGAATTTCTGG  
GGCAATATAGAAACCAGTTGGTAGGTCTATTTATGCAAGACCTGATACCTTGAACCTCATCAAGCCTCATAAC  
TCACAGTCTTTTAAAGAGGAGGAAGTTTTCTGCTTACGTTGGGAGGATAGTGGGAGGTATCATTGGCAGGGA  
AGGACATATGATAATGGACCTTCGATCTATAGCAATTTGGTCCACCCTCCTCAAGATCCAACAACGATGTCTC  
TACGTCTGCCAGCTGTAAACGAGATCGCAGAATAATGGAAGATGATGAGCCTTTTTTTATGTCCAGGGATGAG  
ATTGAGAGATGTTACCTTCAAGAAAAGATGGTATTGACACAATACGTGAAACTCATCTGCGGTACACATATT  
GCGCCTTCTTCAGAGTCTTGGTTTGCAGCTTGAGTTACCTCAGACTACCATTGGCACTGCGATGATTCTATGC



CATCGGTTTTTGTTCGAAGATCACATGCTTGTCATGATAGATTTTTGATTGCCACATCTGCACTCTTCCTTGCT  
GCAAATCACAAGAACACCACGCCCTTTGAACAATGTCTGCGAGCTTCATGTGAAATCTGCA

>trans\_c\_3289 NM\_112969|Arabidopsis thaliana ATTOP6B (topoisomerase 6 subunit B); DNA  
topoisomerase (ATP-hydrolyzing)/ identical protein binding / protein binding (ATTOP6B) mRNA,  
complete cds

TTATAAAATCAATCAAACCTCAAGACAAAATTGGTGTGTTGTTAGTATTGTTAGTACTAAGATTCCTTTCAAGG  
GAACTGGAAAGGAGTACATTGGAGATGACATATCTGAAATAGCATCTGCTGTCAAGTCTGCTATTCAAGCAGTG  
CTGCATTCAATTGAAAAGCAAAATAGTGAAGAAAATACAAGCACGCGAGCAACAGGAGAGGAAACGGAATT  
TGAGCAGATATATCCCAGATGCAACAAATGCTATTTATAATGTTTTGAAAGAAATGGCTCAAGTGCATGCATC  
AAAGAAGAAACGTCATGACTGTGAGGATGCTGAAATACTCAGTAAAGTATCTGCTCGCTTGATTACAAATGAG  
ACGTTGAGGGATAAACTTGCAAGACATGGTGAACAGGTCGACCATGAAATGGCCATGGAATATGCCACACAG  
AGTGGTGCAAGTGCAGAACCCAAAGAAGAAATGTATATCCAATCACTGGATGCAACAGATAACTTCACTGACT  
TCCAGAGCCCTTTGTTTGTTCAGGCTGATTTGTTAATTTTCATTGATATGATTATTTTTTACCTTTTCATTTTAT  
TATGAATAGATAAAATGCACGAAATTGTAATTGTTATTGAACTCATTGCTTTCTGTCCTATATGGAAAAAGAG  
AAAAATAATAAAGGTAGAAGATGCGGTGTAAAGAGATGGGAAATTAATTCTAAAGAATCACATACCATTT  
TTTTTTGCACCATCTTAGTTATCTTTTACTAACATTTATAAAAGGTGTTGGATATATCTCATATCGACATGTCTA  
TGGATATTTTAATCATAAGTTTTGTGTTGACTAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3290 NM\_001185778|Oryza sativa Japonica Group Os01g0911900 (Os01g0911900)  
mRNA, complete cds

ATTGCATTAGAAATTTGACATGAGAAAGACCTTATTTTCAATTATTAGGGCGAATTTCTTCCCAAGGTTTGGGC  
CATCCATCGGGCGAATGGCGTCACTAGCGCTCCTTTCCAGAAATTTCTCGTTGTTCTTCATTGCACAAGAGTG  
GTTTCATGTCAACAACCTTGGTCTTTTCTATCTGGATCACTTTTTTCTACTCACATCGTAGGTGACGATCCGGTT  
CTTGTTGCGGATTTCATACATTCCACGTTATATGATCAAAATCATGGATACTTCGCTCAACGGTCACGTTCAAGT  
GGAGTTCTTGAACACAGCATAAAGTTCAATCAGCTTGAAGGCAGGAAAGCTTATATGAGATACTTGGATAAA  
ATTTACAAGCAGAGTGACGTTTCGTGGTTTACTCCGGTGGAGATTTTTAAGCCTTGGTATGCCCATGGGATTG  
CTGAAGCAATCATGCGAACTGCTAACCTTTCCGTTCCACTAAAAATATATGAAATTGGTGGAGGATCAGGAAC  
GTGTGCAAAGGGGATAATGGATTACATAATGTTGAATGCACCTACAAGAGTTTACAAGAATATGACTTATACG  
TATGTGGTTTTGCTGCATTTTTTCTCTACCATGAAATGATAAAATCTTCTGCTGCCTGCACCAAGCTGAGATAT  
CTTTCTAGCTTTTAGGCTGAATTACTTTATGCATAGCACATCTACCTTGTGCTCTCCATATAACCAATGGGGAAAG  
GAACAACCTTTCAACAATTTTCTTTCTGTGAAAGCCTGAAAGGGGGTATGTTTTTAAAGAGGGAATCTTCTAGAC  
TTTGATTTTTTCGACTTTGTATTTTTCCATAAAAATCCTCCGNCATATGTATAGGATCAT

>trans\_c\_3291 NM\_001073316|Oryza sativa Japonica Group Os12g0485800 (Os12g0485800)  
mRNA, complete cds

AAAAGAAGAAAAAACTTGTAGTTTAACTAAAAAGAAGAAAGGAAGAACAATCAAACCCTAAAATCAGATTT  
CCACAGCCTACGATCTTCTTTTTTCATCGCTTAGTCTTCAACGCTAATTCGACTGAGCAACTCCATTTTCCAGAC  
CTACGCCGTTCCGCCGCGAGCCTCACTCTTGTCCAATCTCCCCCTCGCCACCGCCGGGAAATTTCAAACCTCT  
CTTTCCCTCGCTCTTTGTCCACTCTCATTATTAGATCAAAATGGCAAGCTCAAGTGAAGTGAACGCAAGGAA  
CCAGTGAATGAGCAAATGGTTGCAACATGTACGGTGCTTTAAGGTCAGAATTGAATCAGATATACTCAAAAA  
TCACAGAACTCGAAATGGAAGTCAGTGAACATTCTTGTATTTCGCAATTGAGCCACTTGACCCATCAAGA  
AGATGCTACAGAATGATCGGTGGAGTGCTGGTTGAAAGAACTATCAAAGAGGTCCTGCCGGCTGTCCAACGC  
AACAAAGAGGGACTCGAGGAGGTTATTTCAAGACTCCATGAGGCATTGGAGAAGAAGAAGAAGGAGACATC

TGACTTGGAGGCCAAATACAAGATCAGGATTAGAAAGCATGATGGTGAGGCTAAGGAGGAAGACAGTGGGC  
GGGAAAGAAGGTGCAGCCCAAGGAGTCTTAGTAGGCCCTGCAGGTGAAAGCTAAACTCTCAACCCCATCAT  
GAACTTTTATCATCATATTCTTGTAGTTTCATCCTGATGGTTCAGTGTTATAAGCATGTTTGTGTGAATTTTGT  
TTGACAAACTTTTCAGTTTCTCATAGGAAGATTCCTGGACTTGTATGGTATATATAGATGATTTTGAGG

>trans\_c\_3292 NM\_001060993|Oryza sativa Japonica Group Os05g0113900 (Os05g0113900)  
mRNA, complete cds

AAAATCATTTCCGCAACTTCAATCCTTCTCATCGTCATATCCACTCACCCAATTCCATTTTCTTCTCACACCCTTTT  
GATTTTACGGCCACCCCACTCTAGTTCCGATGGAAACCGGCGGCAAGTTGAAGAAGGGAGCTGGTGGAAGA  
AAGGGCGGCGGCCCGAAGAAGAAGCCGTTTCGCGTTCGGTTAAGGCCGGCCTCCAGTTCCTCGTTGGTAGG  
ATCGGTCGATACTTGAAGAATGGCCGATATGCTCGTCGTGTTGGTACTGGAGCACCTGTCTACTTGGCCGCCG  
TTCTTGAGTATCTCGCCGCTGAGGTGTTGGAGTTGGCTGGAAATGCCGCCAGAGACAACAAGAAGAACAGAA  
TAATTCCTAGACATGTATTGTTGGCCATAAGGAATGATGAAGAACTTGGGAAATTGCTTGCTGGTGTAACAAT  
TGCACATGGTGGTGTCTTCCAAACATAAACCAGTTCCTTTGCCAAAGAAAAGTGAGAAAGCAACTACTAAA  
GAACCAAAATCTCCATCAAAGGCTCCTAAAGCAACTAAATCTCAAAGAAGGCTTAGGTTTTTCTTTTTACTT  
TTTTTTTCTCCATCTGAAAAAACTTTGACTTGTTCTTTGCCCATTTGTATGTAGTTTGTGGCTTTTAGGA  
TCTTCTTCTGTGTTGTTATCAAATGTAAGCTCCAAACTGATGAATTTGATGAATTTGGAGACTCTGTATCACT  
CCTCATCATCTTGATGATTAACTTTGTATTGGTTATGATTTGTTTAGGCCATCGATTTGCTTCTTCAATCTGCT  
AATCTTTGTTGGTTTAATGGATGAGGATGGAAGAATGGAGATATTTGGTCAATTGACCT

>trans\_c\_3293 NM\_147907|Arabidopsis thaliana KOW domain-containing protein (AT5G23535)  
mRNA, complete cds

ATTCGCACTCGCACCCTCTCTCAGTCATCGTGCCGTCAGTCTCTCCTAGCCACCGTTCGCGCCGCCGCGTTCC  
CTCTCTCACTCTTAGTCACCGGTTGCCGCTCGCTGACCAACCTGCGTTTCTCTGGATCTCAATTAACCCACTTGT  
CTTAGTTTGCTGGAGTAGCTTGTGCAGATATTGGCAGTAGTAGCTTTGGTATTTGCATTTCAATTAATGGGTT  
GGAAGGCTGCTGAAAAGCTTATTAGGCACTGGAATAATTCTAGAGGAGATAATGTGATGATCATTAGAGGCA  
AGGATAAAGGAGAACTGGTGTAAATTAAGCGTGTTATTCGCACTCAAATCGTGTTATTGTTGAGGGAAAAA  
ATCTGGTGAAAAACACATTAAACAAGGACAAGGTCATGAAGGTGGAATCTTACAGTTGAAGCTCCCTCCA  
TGTGTGCAATGTCCAAGTTATTGATCCAGTAACAGGGAAGCCTTGTAAGGTTGGTTATAGATATCTTGAAGAT  
GGTCTAAGGTACGAGTTTCAAGAGGATTGGAAGCCTCTGGATCTATAATTCCTCGTCCGAGATCTTAAAGA  
TAAGGACTAGCCCGAGACCTACAGTTGCTGGCCCCAAGGATACTCCAATGGATGTGGTGCTGGAGAAAACTT  
ATGATCCTAAACAGGGAAGGGCATGCCTGAACTTTAAAGGATACTTTCTTCAATTTGGTAGAAATGGTTG  
AACTAGGTTGGAATAATGATTTAGGATCTGAGGATAATATCTTTGTTGTAATGGGTGGCAACTTGATTTTCATT  
CTCCTTGTCAATTCTACTATAATTTTAGATTAATATTTTGTAAAGGTATCCCTTGCTACTTTCAGTAT

>trans\_c\_3294 NM\_125655|Arabidopsis thaliana transportin-SR-related (AT5G62600) mRNA,  
complete cds

CGTCTTGCGCAAGTTATCTTCAAAGTTTGATTGAAGCATTATTCATGCATACGACCCGTCTTCTCACAATATTC  
AGGAATTTACTGCTCGACCAGATATTGCCGATGATTGCTTTCTTTTGGCCTCGAGATGTATACGCTATTGCCCT  
CAATTATTTATTCCCTCTTCGGTATTTCCAGCACTAATAGATTGTGCAATGGTCGGAATCACAGTACAGCATAG  
GGAAGCCTCAAATTCATATTGACATTCTTGGCTGATGTTTTGATCTTGCAAATTCAGCAAAAGTGAACAGT  
ACATATCTAGAAGGGATGCAATTGTCATACCTCGAGGTCATGTTATCCTTCGAATTTTGGTTGCAGCCTTAACG  
GGGGCACTGCCAAGTTCTCGATTGGAGCCGGTGACGTACACACTATTAGCGCTAACTCGAGCTTATAGAGTAC  
AAGCATTAGAGTGGGCCAAGGAAAGTGTCTCATTGATTCCCTCAACCGCTGTTACGGAAAAAGAGCGGTCTGA

GATTCCTAAAAGCGATATCAGATGCAGCTTCAGGATGCGATATAAATGCGCTTGCTGTACCAATAGAAGAACT  
CTCAGACGTATGCCGACGAAACAGAAACGTTCAAGAGATAGTTCAAGGAGCATTGAGGCCGCTTGAACCTAA  
TTTGTGGCTGTATCATAGTGAGGAAAAATGGGGGAAGGGTTTTAACAAATGAGGAGGCCATTTTGCAAGGG  
CTTCGTCTTTGTTTCTGCCATATAGTAGTTGCATTTGAGGCGTAATGCCGGGTGGTTTTATTCTTTTCTTCTT  
CTTCTTCTTCTTCTTTTACCCTTCTTTTTCTTCATTTTCATTTGGTGTATCAATTACCAATC

>trans\_c\_3295 DQ022565|*Thlaspi caerulescens* glutathione S-transferase (gst2) mRNA, complete cds

AGATTAAAAAAGAAGAAGAAGAAGAAAAATTCAAAGAAAAAGCTGTATGGTGTATGTTTGTTCACAGTTC  
ACTCACATGAAAGATGAAACAAATCTAAAAAGGATCTCCACAACCCCTTTTTTTAGCCTTTCTTTTTGGTTTT  
ATTCAATTCCTATTCCTATTTTCTTTTTCTTTTCTTCTTTCTTCTTCTCGAAAAATATACGAAGAAACAGT  
GAAAAAAGAAAAACTCAATTTTCTTACAGTTATTACTCATCACTTACTCATTATTATATAAATCTAAACAACC  
CATTTCTCAAATCCTCTTGGCACTAATGGGTCGCTCTTCTTTTCTCTCAATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTAT  
TCGCTCTCGGTTTCTAATGGATTGGAAGAAGGAATTTGAGGATGGTGGTGGAGCCTTGGATTACATCA  
TAACTCCAGACTTCTACTAGAGGAAAATGGAAGAAAATGGAGGATGGTGTATGATGGAGACAATGGATTATGC  
AGATCCAGAACCAACACAAACGTAAGAGGTGGCTATGCTTCTCCACCTCCTCCAAATCATGGATGAATTTTA  
ATTCAATTCTCTATAAATTAATAAAGGCTTTTCTTTAATTTTCTATTTTGCTCGTGTGTGTGTGTGTGTGT  
GGGAATGTTATTTTGTTCATAGTATTTGTTTTGGGAGAGAGGTAGGGAAAGAAGGGTTTATTGATGTTGAATT  
ACCTAATTTTATTTGTAAAGTGGATTGTTTGTGGTTGGATGTGGATTGATAAATCATGCATTTTATTAAAGT  
TGCTTTTTGCTTTTAACCTGAAAAAGATGGGAAAGAAAAGGTTGGTATATGG

>trans\_c\_3296 BT014790|*Arabidopsis thaliana* At5g24600 gene, complete cds

AGTCTTGGGGGAAGCAAAAAGTTGGTACATTGCAGTTTGAGGAGGTGAGTGAAGAAGGATGGAAGTGAA  
AGATCTTGAATTTTTATGGTTCCACTTGGCTTTCGGGTGCTGGTGAGCTACCATCTTGGCTGATAATCACCAT  
TTACAGAAGGCCTAAAAGAACAGTAATCGGAGTCAACGCTGAGTCTCGCAGACAATGGGTCTCCACCATGATT  
TCAGACCCTGCAAAGAATGGTGTCTTGTCTGTTCAAACCATACGAAACAACATCATGGCTTCTACGCTTATGGC  
CACGACGACGATCACCATCGGCTCATTGATCAGTGTTTTGTGAGCAGCACATCAAGTACTGGAAAGTACCGT  
TACATTGTATTGTGTTTTCTGTTGCCTTCCTTTGCAATGTGCAGTCTATTAGATACCATGCTCATGCCAGCTTCT  
TAGTCACTTTCCTGATGGTGAAGGAAGAAAAGAGTATCTTGCTGCTATATCGAATCGAGGAAGTTTATTTTG  
GTCGCTCGGATTACGAGCTTCTATTTACAATTCCTCTCTTCTGATCTTTGGGCCTCTATCAATGTTTGCG  
AGTTGTTACCTGATAACATTTGTTCTTTACTTCTTGGACTATACCGGATCTTCCAAGTATGATCCTTATGAATAT  
GTACAAAAGGAAGAAGCGAACAACAATGACATTGAATCAGTTGGTCAATCAAGGGGAGTCAATCTTGTCGAA  
AACTCCTCCCTTCAATCTCCTTACTTGCAAGTCACAGTATGACTTCCAACCTAAACGGCTCTGCAATCAAAAC  
TGAAACGCAATTTGCTACAAAGAAGACATACTTTACTTCTTTCATTTATTTCTTAACATG

>trans\_c\_3297 BT024561|*Arabidopsis thaliana* At5g20935 mRNA, complete cds

ACGATTCCAATGGCTGCTTCTTTTTCTCTACAACACCAATCTCACGCCCAAGCATTAGAACCCTCACTTCCATC  
TCTTCTTCAACGTTTCCAACAATTTGAGCACTCGTTCACAACCCCGGAGCATCGTGAAATGCGAATCCAGTGC  
ATCGGCAGCAGACGGCCAGACGCCGCCGGCAAAAAGTCAGAACTCGAGATCGGCTCCCCCGTTATCGTAAT  
CGAGGCTCCCAAGATGATAAAGACCGCAGCCTCAGTTCCATGTCTCAGGGTCAATTCGGGCATAATCAACCCC  
GGTGACGTGCGCAGAATCGTGTGCGAGAAAACCTAAGGACGTGTGGCCGTGCGGCTTAAAGTCGGGACTTA  
CCTCATAGATGGAAGGTATTTAGAGCATTAGAAGTCTGATCAATAGCTTTAATTTGTCCGGAGGCTCTCAATTT  
GAAGGTTCCGAGCTTCAAATTCACCTTTCATGGCGACTTCGTTGGAATGCGGCGTGTGTTTAAATCCGTTTGT  
AAAAAATCATTCGGTTATCGTTGCATGTTGTTTCAGATCATCCTCCGCGTCTCGATCTTGATACAGCAGATCAAA

TGCAACTTAATTAACCATGGATTTAGGAGTCTTGATATTTTTATTGCAAATCTGTTATGCATCTTCGTGGAATTT  
ACGATGAAACTCGAACCCCCAATCCCGTTTGATTGTTTCTTACTGCATGTTTCCATTGTATTTTAAGCATGGAT  
GTATATTTTGGTTTAAGATATATTTTCGTGCAGGTTGTGAGTTCGGCTCATTTGACCTGTGCAGGACAGCTAGGT  
TGTTCAAATTAGTAAACAATAAAAAATAAACCGTCGAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3298 NM\_128100|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-  
containing protein (AT2G25430) mRNA, complete cds

CGAGGTGCAGAGAATCACCAGCAAGTACTCGAAACATTGGAGGAGTTTTTGAGGGAAAGAGGGAAGAGGC  
CAAAGAGTCCCAGAGAGAGGCCACCTCCGCCTGCGCCTGAAGAGGAAGAACCGGCACCTGATATGAATGAG  
ATTAAGCTCTTCTCCACCAGAAAATTACACTCCACCTCCGCCTGAGCCTGAGCCCCAGCCTGCGCCCAAACC  
TCAACCGCAAGTCACGGATGACTTGGTCTATCTGAGAGATGATGCAGTTAGTGCAGATGATCAAGGTAACAA  
ACTGGCATTGGCTCTGTTTGCTGGTCCAGCAGCTAATGGTGCAAACGGATCCTGGGAAGCTTTCCTTCCGAT  
GGACAGCCAGAAGTAACCTCTGCTTGGCAGACCCCGGCTGCTGAACCTGGCAAAGCCGATTGGGAGTTAGCT  
TTGGTTGAAACAGCAAGCAATTTATCAAGGCAGAAAGCAGCACTCGGTGGTGGACTCGACCCACTGTTGTAA  
ATGGCATGTATGATCAAGGAATGGTTAGGCAGCACACTAGCACTGCACAGCTGAGTGGTGGAAAGCGCAAGC  
AGTGTAGCTTTGCCCGGCCCGGAAACAGCAAACTCCTGTACTGGCTCTTCCAGCACCGGATGGAAGTGTCC  
AGGCAGTGAATCAGGATCCTTTCGAGCATCGTTAAGCGTACCACCTCCTTCTTATGTCAAATGGTGGAGAT  
GGAGAAGAAACAGCATCTGCTTATGCAGGAACAGCAGTTATGGCAGCAGTATGCAAGAGATGGGATGCAAG  
GGCAGAGCAGTTTGAACAAAATCAGTAACCCCCGGGTTACTACAACATGGGCGTGGCACCNATGGCTCCCA  
TGCCCTAC

>trans\_c\_3299 DQ150259|Vitis pseudoreticulata aldehyde dehydrogenase (ALDH2b) mRNA,  
complete cds

AAATAAAACACTCAATGGTATCTTTTTATCCATTAGGAAAAGTTGATGTTCAATCAAATCATCCAAAATGGA  
TAGCTCAGAATCACATATTAAGAGGTAGACATTATTATAAAGGTTTCAACTTTTCTACAACAACAGAAGCAAG  
GTCCTGTTTTATTCTTGAGAAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGTATTTTGCAAAGTAAAACA  
TTTTTGACTTCACCTGCATTGGTGAGATTCTCACAACCATGCTGGATTCTTGAGAGGTGTAACAACAGCCTTC  
ACTTGTAAGTAGTTTTGGAGGCTGTAAATTCCCTTCTCCCTTCTATTCCACTCATCTTATACCCGCCAAATGGT  
ATCGCGGCATCGAATATGTGCAAGCAATTGACCCACACGGTCCCCGTTCTCAACCCTCGTGTTAGTGTGTTGGC  
CGTGTGCGATGTTGCAAGTGAAACTCCTGATGCTAGACCGTAACGAGTTGAGTTTGCCTATGAATTACTTCAT  
CAATGTCCTTGAATTTCAAGATGGATTGTAAGTGGACCAAGATTTATCCTTTGCTATCAACATATCGTCCTTAA  
CATTTGAGAAAAGTGTGGCTCGATGAAGTACCCCTTGGACCCAAGTCTACCAACCCCAATTCCAAAGTAGC  
GTTGCTTTCAATGCCAGATTTGATATATCTTAGGACTTTTTGCAATTGCTCCAAGTCAATCTGAGGACCCTGTT  
AACGCCCTTCTGAAAGGGTCACCAACAACACGTCTTTGGGCACGTGCCTTAGACTTTTCGACAAATTCTTCGT  
ATACGCGCTCGTGCAAAAGGTACGAGACCCAGCACAAACATTGCCCCTGAAAAGTTG

>trans\_c\_3300 AY104615|Zea mays PCO111783 mRNA sequence

ATCTCCCTCTCAGACTATTGACCTTAATAGCATAGAGAAAAGGTTGCCACTGACTGCTGATAGCTTAGATTCCA  
GAGGCCTGTACTTGTATGACGACGGCTTTCGCTTTATTGTTTGGTTTGGTAGAGTGCTTTCGCCGGATGTGTCT  
ATGAATTTACTTGGGGCAGACTTTGCAACAGAACTATCAAAGGTTATCCTGAGTGATCATGATAATGTAATGT  
CAAGAAAAGTATTAGAGACGCTCCAGAAATTTAGAGAAAAGTACCCTTCATACTATCAGCTATCTCATCTTGTT  
AGACAAGGCGAACAACCTAGAGAAGGCTTCTCCTCCTAGCAAATCTTGTTGAGGACCAAGTGGGTGGTACA  
AATGGTTATGTTGATTGGCTTCTACAAATACACCGGCAAGTTCAGCAAAATGCTTAATACAAGTTTTAAATCTA  
GCAGGACAGAGTTTTGGCATAAAGAAGCCCGTTGTCTCGGAAACAATGGAAGATTTTACTGAAGGCCATGAG

GGGGATTGAGCTTCAACAACCTGGCTCCAGGAAGCAACGTGGATTCTGATTGCGCTCTTCATAAATTTGTTACCA  
GATAGATTAAATTTTTTTTTGTCTTTTAAACAATAATTTTTTCCCTTCTTGAGAGGTTGTCACGATTATAGGGATATC  
TAAATCAGATGTTACTTTCTATTTCTATATTATGTTGTCTATATCTACCCCCCCCCCCCCCTAGATTTGGGTAG  
AATTGTTGCAAAAGCTTTGGATTTGTTTGGTTATACAACTTAATTTTGTCTGGTTATTGAGGTGGTTATTTG  
AAGGAAGTTGTGTAATTTTACAACCTGGAACCTACCTATTATTATTATATTCATATTTAT

>trans\_c\_3301 NM\_001036341|Arabidopsis thaliana 3'-5' exonuclease domain-containing protein /  
K homology domain-containing protein / KH domain-containing protein (AT2G25910) mRNA,  
complete cds

TCAAATGGCGAACACTCCTCCTTCTCACCAGACCTGTATTCTCTGCCTTCGGACTCAGGTGAAAATCAGACCG  
ATCCTGAAGCCAACGCAACCTTGGTTCCTATACATATTGTTACTCATGTATCTCAGCTGCCTAAAGAATTTGTTG  
AACCATCAGCTGAAAAGCCTCTGGTAGTTGGCTTTGATTGTGAAGGTGTTGACCTGTGTCGCCATGGAAACCT  
CTGTGTCATGCAGATCGCATTTCAGATGCTGTATATCTGGTTGATGCTGTTGAGGGAGGAGAGGAGCTTGTG  
AAAGTCTGTAAGCCCGCTCTTGAGTCCAAATATGTCACAAAAGTTATTCATGATTGCAAACGAGATAGCGAGG  
CATTGTACTTTTCAAGTTTGGTATCAAGTTGAACAATGTTATCGATACACAGATTGCATATTCATTTTAGAGGAG  
CAAGAGGGACGGACAAAGACACCAGATAACTATATCTCATTTGTTAGTCTTCTTGAGATTACGTTATTGTGG  
TGTGTCCTATGTGGAGAAGGAAGAGGTCCGGCTCTTACTTAGAAAGGACCCCAAGTTTGGACCTATAGACCA  
ATGTCTGAATTAATGGTCCGTGCAGCTGCGGATGATGTACGCTTTCTGCTTTACATCTATCACAAGATGATGGA  
GAAATTGAATCATCAATCGCTGTGGTATCTTGACAGTGCCTGGTCTTTGTACTGTCGCTGTTTTTGCATCAGTG  
ATAATGGATATGCCGACTGGCCTCCTCTCCCTTCCGTTCCAGATAACCTCGTAAAAGAGGGAAATGCTCCTGAA  
AGAAAAATTCTTTCAGTCTTAGATGTTCTCATGGAATGATGGGTCGCGTAATTGGTAGGAG

>trans\_c\_3302 NM\_001064040|Oryza sativa Japonica Group Os06g0318700 (Os06g0318700)  
mRNA, complete cds

AGGTACAGCCGTACGGGCGCGAGCCATAGCCTTTTCTTTCCCTTCTCCGGTTGAATTATGCACTGCCTCGATT  
TCCTTCGTTTCTCTTCTCTTTTCAATTCCTCCACTCCTTCTATCTTATTCAAATCTTCTCTCACTTCTTTAATCAA  
ACAAAAAAATTTCAATTCCTTTTCTTTCTTTTATTTGATTTCAATCCCTTTTCTTCTTTTCGATCGCCATGTCTA  
AAAGGGTCTTATGCAAGTATTTTGCATGAGCTTGTAAAAGGGGAATATTGTGAGTTTTCTCATGACTG  
GACGGCTCCACCAAGCAATGTTTGTACTTATTATCAAAGGGTAGGTGTGCTTTTGGCAGTCGATGCAGATAT  
GATCATGTTAAAGTTTCTCACACCGAATCGTGTTCAATGTTGAGCAATCTCATGGGTCTGAATCTCTTTCTGTA  
GCTCATTCTCAATTATCAAGGCCACTTTCTCCTTTTCTGGTTCTACAAGCGAGCTTGCTAGTTCAGAGATGCCC  
AGTCTTCCCTTGCGGCATGAACTGCGTGAGGTGGAGAGTTTGTGCGTCCAGACGGTCTAGATGATTGGGGG  
AATGGGGAGGCAAGGGTGTGGTCCAGCTGATATACCTATTTGTTCTTTGCTGCGGCTGGTGGTGATTGTC  
CGCGTGGTGAAAATTGCTCTGATTATGAGGACTTATGTCCTACATGTGGAAAACAATGTTTACATCCTTTT  
AGGACGGATGAAAGGGAGGAGCACTTGAAGGCATGTGAGAAAAAGCAAAAACATCTAGAGTCTTTGAAACA  
TAGCCAAGACATAGAGTGCAGTGTTCCTGGAGCGTGTTCTTTCTAAAACCGAAAC

>trans\_c\_3303 M16057|Cucumber LHCP mRNA encoding chlorophyll a/b-binding protein, partial  
cds

ATTAAGTACCCAAAAAATACAAAACAGGGTTAATACAAATGATTGACAAGAGACTGCAAAGCAGCAAAAGAA  
CTAACAAAAAGGAAAATGTGATTTTAAAGTCCTATATTTCCATTGCTCCCATTTCCAAGTTGGCACAGAAATT  
CAAGCAAAGCCTCGTGCCGAATTCGGCACGAGGCTTTGGTGAAGCAGTTTGGTTCAAGGCTGGTTCACAAATC  
TTTAGTGAGGGTGGCCTAGACTATCTTGGAACCCAAAGTCTTATTCATGCACAGAGCATTTTGGCAATTTGGG  
CATCTCAAGTAGTGTTAATGGGTGCTGTTGAAGGTTACCGTATTGCCGAGGACCACTTGGAGAGATTACCGA

TCCCATCTACCCAGGTGGTAGCTTTGATCCCCCTTGGGTGGCTGATGATCCAGAGGCATTTGCAGAACTTAAG  
GTGAAAGAACTTAAGAATGGTCGTCTTGCAATGTTTTCCATGTTTGGGTTTTTCGTACAGGCCATTGTAACAGG  
AAAAGGTCCTTTGGAGAACCTTGACAGCATCTTGCTGATCCTGTCAACAACAATGCATGGGCTTATGCTACCA  
ACTTTGTACCTGGAAAGTGAATTACTATGTAATGTTCAAACAAGCTTTCAATTTCACTACGGTGTTAGCTTGTC  
GAGCGGCCGCCGGGCAGGTACTGCCACAGCCGGATCTGACGGTGGGGATAAAATCGCACACAGATCCTG  
GAGTTTTGACCGTTCTGCTGCAGGATCATATCGGCGGTTTGCAGATAAGGCACGGCGGTGGTTGGGTGGATG  
TTGAGCCCCGTCCCCGGTGCTCTTGTTATCAATATCGGTGACTTGCTTCAGATCGCGTCAAATGATGTGT

>trans\_c\_3304 AY579881|Medicago truncatula AML1 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGGAGAGAAGTTACAATCCACCACAAAGAGAGAGCAAGAGAAGCTTCTTTCAA  
ATGTGCAAGTTTAAGTACAATTCTGATTATTCAAGGATCCAAGAGAGAAGACAAGAATATGAATTTACAATGT  
TTAATTTGATGCAAACACCAATTCTGTTGTCTACATGATATCAACAACCTTAACATAGGGAAGAAACATCCTAGT  
GACCTCCCCCATCTGTACACTTCTTCAACAGAGAACCTAAACCATATATGACCCACAGAAATTTACCAATATCA  
ACAGGGACAACCTCATATTTGCAATTGGACTTGAGAGCCCCCTATGAACAAAGACAAAATGCAAACTCCTCTAAT  
ATAGACTCCACAGAAGTGATGGTCACAAACAAGCTGGAAGAAACGCTCGATGCCGCAGAGAGACTTAGGCCA  
GTAGCCACGTGATTCTCCTTATTTACCATTGGTTAAATTACAATATGTTCTCTACCTACAACCAAAAAAAAAA  
AAAAAATTGCTCTCTGCCTCCTTGCTGCAATACCTTCATGAAAAATAATGATCAAGTAAAGTATTCATCAATC  
ACAATTACTCCATCAGTTCTCACTTAGTTTTACCATATTAATACCTATCCAACAGTTAGTTTTCCAGCCTTTCTT  
AATCTCAAGGCTTAGAAAATGAACCAGAATAAGTTAATTTCTGGCTTTTCATCTGGGTGGCCCTTTGGGCTGT  
CCAATGAGTCCCCTGAGTACGATCCATCTGGCTGACGAATGCATATGTTTCAGGTTGCTGGAGAGGAGAATATC  
CTGGTCACCAATCTCTTGGCCTTCAGATCGAAAGAGAATCGGCCGACATCGCTTGTCTT

>trans\_c\_3305 Novel Gene

ATACAAAAACCTATACATTATGGACGCGGTGACGGTGAGAGCAAAGGTCTTCGTCGGCTCACAGAGGGCCT  
GTGGACAGATACGATGTGCAGTTGGTCGCCGGACGGCGATTGGATCGCATTTTCATCGGACCGGGAGAACCC  
TGGTGCTGGAAGCTTCGATCTGTTTTGATCCACCCGAACGGAACCGGGTTGAGGAAGCTGTTTCAAAGCGGT  
TTGGGGGGTCGGGCGAACCCCGAATTGGCGTCCGGATGGGAAAGCTCTAGTGTTCACTACGGACAATGCG  
GGGATATCTGCGGAGCCGGTTTCAAATCCACATCACTATCAGCCCTACGGCGAGATCTACACTATTAATTGG  
ACGGCTCTGATCTTCAGAGGCTGACTCATAACTCCTATGAGGATGGGACCCCTACGTGGAGTCCACGTTATAT  
CAACCCAGTTAACGTGGAGAATTTATATGACGTGGAACCCCTGTGGCTTTGAAGATTGTCACTGGCTTAACCAA  
AATAACAGGGCCATAATGATATTAGGCCCGTCTTAACCTGGGCCTCGATGTAGCCATAAAACATCAGCTGGC  
CCTACAAGCCCAAAACCCATCCCTAAATAATGCCCAATCATGGTGTTCTGGCTTATTTACTATAGTGTTATATAA  
AGTGTAATTGAGTTAATTGATAGCATAGCTACACTACCATAGAGTTTGTACTATATTATTAACCTTTAAAGTTTGA  
TCTCTCTCCTTGATGTCAATATGTATATATATATATATATTAGGTACCTAACGGTTGCTTTCTTCTCCTCATT  
TGTGTACATAATCAGGGAATGTTAAGATATATTTGAGCTGTTTGACTTGCTAACAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3306 NM\_001036313|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S25 (RPS25B)  
(AT2G21580) mRNA, complete cds

CCCTTCAGCCGAAGCCCTTGAACTCTTTCACTCAAACCCTAGAAACCAAATCTCATGGCGCCGAAGAAGGA  
CAAGGCTCCTCCACCGTCCTTAAGCCTGCTAAATCTGGCGGAGGAAAGCAGAAGAAGAAGAAATGGAGCAA  
GGGTAAGCAAAAGGAGAAGGTGAACAACATGGTTTTGTTTGATCAGGGGACTTATGATAAGCTCCTTTCTGA  
AGTTCCCAAGTACAAGCTAGTCACTCCGTCTATCCTTTCTGATAGATTGAGGATCAATGGATCATTAGCACGAA  
GAGCAATTAAGGATTTGATGGCTCGAGGTTCCATCAGAATGATATCGGCTCACTCGAGTCAGCAGATCTACAC  
CAGAGCAACCAACACCTAAGGACAACAATTCATTTCACTTATGCCCCGAGAGGGTATATAATAGATATGTAGTT

GCCTTTCCATTTTGCAAGTCCAAATTTTGTTGAGTGATCAAATTATCATTTTAGTTTGTTAACGGCAGAATGAAC  
TCTAAAAGAGACGTTTTTAATTTGTTAATGTGCACGAATTTGTTTGCGGTGCGGGTCTTAACCTGTGTGATGAA  
TTGTGTCGATTGGCTGTTGTCTGCCTTTTCTCTTCCTACTGCCAAGTACTAATCATAATGTTTGTATGTAGAAT  
CTCGTTTTAGATGAAAGTTGGTAATCTAACGTGGCTTTGACATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTACTAAACCCCCACCCCCGGGGGGG

>trans\_c\_3307 NM\_100939|Arabidopsis thaliana ATARFA1F (ARABIDOPSIS THALIANA ADP-  
RIBOSYLATION FACTOR A1F); GTP binding / copper ion binding / phospholipase activator/ protease  
(ATARFA1F) mRNA, complete cds

CTCTAGCGCCATATTACGCGTTGTTCTGAAGTCTCCATTTTTCTTGCTCTCTCCATCCCCTTCAATACACCTCC  
GTGCAGCTCTCAGAGAAAAGAAGGAATTCGAGTTACGAAAAGAGATGGGGCTCACCTTCGCAAAGCTCCT  
CAGCCGGCTGTTTGCTAAAAAGAGATGAGAATTCTGATGGTTGGTCTTGATGCCGCTGGTAAGACGACCATT  
CTCTATAAACTCAAGCTTGGAGAGATCGTCACAATCTCTACCATCGGGTTAACGTGGAGACGGTGGAAAT  
ATAAGAACATCAGCTTCACTGTCTGGGATGTCGGTGGTCAGGACAAAATTCGTCCATTGTGGAGGCACTATTT  
CCAGAACTCAAGGTCTTATATTTGTGGTGGACAGTAACGATAGAGACCGTGTGTTGAGGCAAGAGATGA  
GTTGCATAGAATGTTGAATGAGGATGAGCTTCGAGATGCAGTACTACTGGTGTGTTGCTAATAACAAGATCTT  
CCCAATGCAATGAATGCCGCTGAGATTACAGATAAGCTTGGTCTTCATTCTCTCGGCAGCGCCACTGGTATAT  
CCAGAGCACTTGTGCAACCTCCGGGGAAGGGCTTTATGAGGGATTAGATTGGCTTTCAAACAACATTGCTAAC  
AAGGCATAAAAGCTGTAAAAAGAGTTGTCTTGTGCTGACTGGCAATCCCGGATGCAGGGATGGACGTTATCTAC  
TTTTCTTGTTTTTTGGGGATTAGTATTTATGCCTTTCTTTAGGGATTGATCTTTCGTAGTGGTGTGCGGTCTA  
TGGTCATTATTGTAATGGTTGTTCTGTGACTCACCTGAGCTTGTGTGTTAATGAGATGATGTAAT

>trans\_c\_3308 NM\_125783|Arabidopsis thaliana VPS20.1 (VPS20.1) mRNA, complete cds

ATTTTACGAAAATCTCATCAGTAACCTCCTTCTATTGTTTTATCAAAAAGACCAAAATTCTCTCTTTCTCTC  
AATTTAGTTGCTACTACCGTGATTCTCCATCCGTCAAAGGAATCAAAGACGAAGAATGAGGGATTGACGGAT  
CTGTGCTGTTCAATCCCTCTGCTAAGACAATCAATCATATTCCTAAGTTGAAGAAAAACGTTGTGATCGACAA  
TCCAATTGGGAGAAGTAGATGGGGAATTTATTCGTCAAGAAGCCCAAAGTCACCGATGTTGATAAAGCCATTC  
TCTCTCTCAAGACGCAGAGACGCAAACTCGGTCAATACCAACAGCAGCTTGATGCTGTCTATTGAAGCAGAAAA  
GAATGCTGCAAGAGAGTTAGTTGACAAAAAGAAAAAGATCGGGCCTTGTTAGCTTTGAAGAAGAAAAAGGC  
ACAAGAAGAATTACTAAAGCATGTTGATGCCTGGCTGATTAATGTTGAGCAACAATTGTCAGATATTGAATTG  
GCCAGCAAACAGAAAGCTGTTTTGAAAGTTTGAAGGCTGGTAATAATGCGATCAAAGCTATACAAAGTGAA  
ATTAACATTGATGATGTCCAAAAGCTGATGGATGATACTGCTGAAGCTAAAGCATATCAAGATGAAATTAATG  
CCATCTTGGGTGAGAAATTATCAGAAGAAGATGAGGAGCAAACTTAGCAGAATTTGAGAGCTTGGAAGCTC  
AGCTCACTGTTGAAGATCTGCCTGAGGTCCCAACTCCGAAGAAAAAGAGGAAAAAGTTGGATCTTCCCGAGG  
TGCCATCCAAGAAACCTGTTGCAGCTGATGCCATTGAAGAAGATGCTGAACTGTATCATCTGATGCATC

>trans\_c\_3309 NM\_001112324|Zea mays alkaline alpha galactosidase 2 (AGA2),  
mRNA gb|AF497511.2| Zea mays alkaline alpha galactosidase 2 mRNA, complete cds

ATATGGAATTTGAACAAATTCACCGGTGTCGTCGGCATCTACAATTGCCAAGGTGCTGCCTGGAACAGCCAAG  
AAAGAAAGAACACATTCCACGACACCAACTCCGATGCCATCACTGGTTACGTCAAAGGCCGCGACGTTACGC  
CATTTCTGAAGTCGCAGCGGATCCCAACTGGAACGGAGACTGCGCTTTCTACCGCCATCGCTCTGGCGACCTC  
ATCACTCTTCATACAATTACGCGCTTCCTGTTTCTCTTAAAGTTCTCGAATTCGACATCTTCACCATCACTCCGA  
TTAAAGTTTTGGCCCCGGGCTTCAGCTTCGCTCCCCTCGGGCCATTGACATGTACAATTCTGGTGGGGCAATC

GAAGGGTTGAAATATGAAGTGAAAGGTGGAGCCGAGCTTGTGGAGGTTGATGGCACATCAGAAGGAACCGA  
GGCAGCTGGTGAGCGGGCGGAAAATCGGAGCTCCGAGTTGGTTGGAATTGTTCACTTGGAAAGTGAAAGGGT  
GTGGGAAGTTTGGGGCTTACTCATCGGCGAAGCCACGACGGTGCATTGTGGATTCAAGTGTTGTAGAATTG  
GTTATGATTTCGAGTCAGGTTTGTGACTTTAGGAATTGACAAATTACCAGAAGGTGATCTTAAATATCACGA  
CATTAAATTGAGTTATGAATTTTATGTTTTGTTAAGGATCGTATAATTAGGTGCCGATTATAGGCAAAAATAT  
TTAGGTGCCGTTATAGGCAAGTATTCTCCCTTTGTTTTGGGTAGAGAATCTTGTAATGTTTATCATGTGTCG  
ATTTGAATCTAAATAAATTTTCTTACCTTATTTATCACTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3310 BT029518|Arabidopsis thaliana At3g25890 mRNA, complete cds

TTCACAGATTTGGGAGAAAATCAACACACAGAGAAAAGAAGAGAGACGGGAGAGAGAGTTTGAGGGTAAG  
GCTCTGTGTTGTTGGAGAGCCAAGAATTCACAACAGAATCCAACCTCACACACACCCCTCAAAGCAAATTACTC  
TCTCAAATCTTCAAAGAATTTGTGTTCTCTCTTCTGTCGACGTTGATAAGAAACTCACAAAAGGGGGTTT  
AGCGGAGGGGATTTATGTCTTCTGAGCTTCATCTGTTTTCTGGAGCTTTGAAGCAGCTCTGGTTTTCTTCTCGTC  
TCTGTTTTTGTACTTCACATGCAATTTGGTTCCTGGCCACAACAAAGTTTTCGACCTTTTTCATGCAATTAAG  
ATCAAATCGGTCTTGTTCTGGGGTGAAGGGTTTTCAGGATTCTATCAGATATCATATTCTTTTTCAATTTTGGT  
TCATTTTTGTTTCAGTGTTTCGGGTTTTCGTTGACATTAAGATCGCTAAAGCTTCTCTGCCTTCCATTCTCT  
CCCCTTCACCTTCTCAATTTTTCATCTTTTTCGTAAACAAGTTTTGCCCTCGTTTCTATATTCATTATAGTTGA  
GGATTTGACCACAAAACGTCCGGATTCTGAAGGTAGTTTTCAATTCGAGATATGTATGGTAAAGAAGAGAAG  
AAAATGAAGCAATTAAGAAGGAAAGTCCATTTCTATGAGGAAAATTCGTGTACTGTTTCATGATCCTGATG  
CCACAGACTACTCAAGCGAAGAAGATGAGCATGTGAGTCAAGGGGCTAAGAAGATTGTCTGGGAGATACCGA  
TTCCAGACATTCACCGAAAGCCATCGGAGGTGAGCTCACAGAAAGAAAGGGCTGATAGAG

>trans\_c\_3311 NM\_127149|Arabidopsis thaliana MEE14 (maternal effect embryo arrest 14)  
(MEE14) mRNA, complete cds

CCCATCCTTATCCACTTCTTCTCATCTCTCATCTTCTTCTCACGATTTTATCTCAAATTTCAATCCCAT  
TCCCTTTTGCTTCAACAATGGAATCCTCCCTTCTCCGTTCCCTTTTCTCTCTTACTTCTCGAATCCACCGACCT  
CATCTTCGCCGATCGGATCCCTTCCCTTCTTAGATTTTCTTCTACCTTGTTGTTGTTCTTCTTCCAAAGCC  
ATTCTTATATTCCCAAGCTCGAGCCCTTAGCCGTTCTAAGCTTGATCGCGCCATCAAAGAACCGCCTCTCATTG  
AGAAGTCTGAGAACGAGCTTGCAGATTATTGTTTCGACGTTGGAAGGAGACGATTCTTATAGCTGTTGGAAAG  
CGTATTTTCAACTCAAAGATCTTGAAAAAGGGGTACCAAAACAAGAAGTGGAGAACTGATTCTGCAAGCAG  
GAGGCGTGAAATCACTGATAGGGTGCTTACACGGGATAACAGCCATACCGAAGAGCAAGGGAAAGGAAAAG  
GAGGAAAGGAAGGCATGGAAGACGGGAGTGAAGGAAGAGGGAATAAGGAATGTCCAATACCAGATGGAT  
TGCCAAAATCTGCTGAAGAAATAGAAGAAGAAGAAGAGGAGAATGCCAGATTCGGCATTACGAGATTGT  
TGAGGAGCAAAGGCACATTCCCTGCTTGGTATCCCTGCACCCGATCACGAAACAGATTGAACTCAAATTTT  
GCTTTTTAGGGTTTAGGGTTTGGCAGACCGATGATATGAGTAGTAGCAGCAGCAGTAGTAGTGAAGTTG  
ATTGGTAAATATTTGTTATATAAAATTTGTGAATAAGGGATAGCTTTCTTCTGTATATTTAAT

>trans\_c\_3312 DQ857263|Glycine max Dof13 mRNA, partial cds

ACAATTTCTTAACTTACAAATCTCTCTCTCTTCCCTAACTTGGTCATTTCTTCTTCTTCTATATAT  
TTCTTCTTTTACCCCATCCTTAACAAACCCCTCTCTCTCCATTTCTCTCTATATTTCTCAATCTCTCTCTAGCTA  
AGAGTAAGACACGTCTGTCTTCACTTCATCATCCATTCTGCTGGTTTTTATGAATGGATCATTCAAGTGGAC  
AACACCAAGAACTCAAGCACAAACCATTGGAGAACATGTTGGCTATTTCTATGTCCTAAAGTACAGCAAGAAAA  
CAGGAAGCCAATGAGGCCACAACCAGAGCAAGCTCTGAGATGCCCGAGATGTGATTCAACTAATACCAAGTT  
CTGTTACTACAATAACTACAGACTTTCCAGCCGAGGTATTTTTGTAAGTCTTGTAGAAGATATTGGACCAAAG



GGGGTACTCTAAGAAATGTTCTGTGGGTGGTGGATGTAGGAAGAACAAAAGACCATCACCTTCTACTTCTTC  
TTCTTCATCTCCTTCTTCAAAGAGATCGCATGATCAAGCTGCTAATTCTGGCCGTTTAATGCTCACTGATACCCA  
TCTTCCATCTTTAGCCTTCGAGTCCACTGATTTAAGTTTGGCATTGCTAAGCTCCAACATCAATCAAATGGGCA  
GATGGGTCTTTTTGATACAACCCATAACAGCTTTCAAATTTGTATTCTGGGTTTGGTACTGGGAGTTCTGGGG  
AGGTTGAAAATGGTGGATTCCCTCATTTTGAACATTATAACAGCAGTGGTGTGCATCTACAGCCACTGCTACA  
GCAATGAAGCAAGAGATGGTTTGTAGTTGAGATCAAATAATATGGTTTTGTTG

>trans\_c\_3313 NM\_118908|Arabidopsis thaliana VPS26B (VACUOLAR PROTEIN SORTING 26B)  
(VPS26B) mRNA, complete cds

AGACTATTCAGACTAAATCGTCAGCGCCAGGTGAACAACCATCTCTGGCAACCATCAATCACTTCCGGCGGACTT  
CCGGCAACGCCAGACTCGGGGCAATAGCTGCTGGATTCAAGGCTGATTGCGCCAGGTTTGGGAGCTAAATTTT  
ACTGCCGACCATTATGAATTACCTGCTTGGAGCTTTTAAGCCATCGTGCAATGTATCAATTGCATTTTCAGATG  
GAAAAACACGCAAGCAGGTTCCACTAAAGAAGGAAAATGGTCAAACAGTTTTGGTTCCCCTCTTCCAAAGTCA  
AGAGAATATTACTGGGAAGATAACAATAGATCCTCTACAAGGAAAAAAGTTGATCACAATGGTGTAAAAATT  
GAGCTTCTTGGTCAAATCGAGATGTATTTTGATAGAGGCAACTTTTACGACTTTACTTCTTGTTCGTGAATTG  
GATGTTCCGGGAGAAATATATGAAAGGAAAACATACCCATTGCAATTTTCTACAGTTGAAATGCCTTATGAGA  
CATATAATGGGGTGAATGTGAGGCTGAGGTATGTTCTCAAAGTTACCATCAGTCGTGGGTATGCTGGTAGCAT  
TGTGGAATATCAAGACTTTGTGGTTCGCAACTATTCTCCACTTCCATCGATTAATAACGGTATCAAGATGGAAG  
TCGGAATTGAAGATTGCCTACACATCGAGTTTGAGTATAACAAAAGCAAGTACCATCTCAAAGATGTTATAAT  
TGGCAAGATTTATTTCTGCTGGTGAGAATTAAGATAAAGAATATGGATCTGGAGATCAGGCGTCGAGAATC  
ACAGGATCTGGTGCTAACACTCATGTTGAGACAGAGACACTAGCTAAATATGAGCTGATGGATGGAG

>trans\_c\_3314 NM\_202546|Arabidopsis thaliana reticulon family protein (AT3G10915) mRNA,  
complete cds

GGAATGCTTTGAATTTGGAAGTTAAAAAATTCTTCAATTGCGTGAAATCCATTTCCATCTTTCCTTCGGATTTT  
TCGATCATACAAAAACAAAAACCCCAACTCTTCTCCACCTTCAATTTTGACTCTAAACCTCCACAATTCTGTCTG  
ACCGGACCCGACCAATTGATAACTGCAATGGTCGATCTTTCGATACAGCTGCCGGAAACGTTGAAGCTGACG  
GGAAAGACATACCCTGCACCTCATGTGACCGCCAACTCTACTCCACCAGTCCATGGGCGGCGGTAAAGCGG  
CTGATATTCTTCTGTGGAAACAGTGGCATGTTTCTTTCGGCATTATTGTTGTTTCTACGGTATTTTGGCTTCTAA  
TTGAGCACTCTGGATTGCCATTGTTGACAACATGTTTCGGATGTCTTGCTGATTTTGGTTGCTTATTGTTTCTTC  
GTGCCAACTACGCTGCATTCCGAAACAAGCAACTTCAAACATTACCGCAGCTGGTACTGTCGGAGGAGTTTGT  
CAACAACGTAGCAGCATCGCTTCGGGCGAAAATCAATAACACGTTACTTATGGCTCATGATATCACACTTGGC  
AATGATTTCAAACCTTTTTTCAGGATGGTGATCGGTTTGTGGCTTTTATCCGTCGTTGGTAGCTACGTTTCTTC  
TTCACCTTTGCATATATTGGAACAATCATCTCAATAACCATCCCTGCTTGTACAGCAAATACGATAAACATGTT  
GACAGATACTGCGGAATGATCCGCCAAACATTTACAAAGCATTATCGAGTGATGGATGAGAGTGTTCAGCA  
GACTCCCTGGTAATTTATCCAAGGATAAAAATCAATGAAAAAACTCTGCCCTTAATTTT

>trans\_c\_3315 XM\_002887770|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AGACATCTCTAATGGTAGTTGGTACTGCAGATAGAAATCTCATAGTATTTAACTTGCAAACCTCTCAGAGTGA  
ATTTAAGGGAATTGTTTCACCTTGAAGTATCAAACAAGATGTGTAGCCGCCTTCTGATCAGCAAGGTTTCT  
TGTTTGGTTCAATAGAGGGAAGGGTTGGTGTCCATCACCTTGACGAGTCTATGGCAAATAAGAACTTCACTTT  
CAAGTGCCACAGGGATGGGTCTGAGATATATTCTGTCAACTCCTTGAACCTCCATCCTGTGCATCACACTTTTG  
CAACTGCAGGGTTCGGATGGTGCTTTTAATTTCTGGGACAAGGATAGCAAGCAGAGGCTGAAGGCAATGTCAC  
GGTGTAGTCAGCCCATAAGTTGTAGCACTTTCAACCAGGATGGGTTCGATATTTGCATATTCAAGTGTGCTACGA

TTGGAGTAAAGGGGCAGAAAATCACAACCCAGCAACAGCAAAGACTTACATCTACTTGACCTTCCACAGGA  
GGTTGAGGTTAAAGGCAAGCCACGAGTTGGGGGCGGGGAAGAAAGTGATACCTGTCTAATCGATTACATTT  
GTTTCATCATTGTTCTCTAATGTCAAATTACTAATAGGGTTAACTAAGTTTGCAAAAATGTTGAATATATTTTAA  
GTTTAGAATGTAGACTATCTTTTTGTATGATTGGCGATTGGCAACTATCGAGTTTTCAAATACTAGAGAGAGA  
TCTACAGATGGATTTCTTTGCCATGAGATTGTTATTTCTGTACCAAATTGTTGCGCAAGTGATGAATGTCTTTTG  
GGAAATTGAACAATTTTAGTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3316 NM\_115533|Arabidopsis thaliana ubiquitin-associated (UBA)/TS-N domain-  
containing protein (AT3G56740) mRNA, complete cds

AAGACGACAAATCGAAATCAAATCAAATAGATAAAGAAAGAAGAAGGCTGTGACCGTCTCAGAGAATCGTT  
CCTTCCTCTCTGAGACGATGAACGGCGGCCCTCCGGTTTCAACAATGCTCCCGTCACCCGGACCTTCATCATC  
GCCTCCGCTCTTTTCACCATTTTCTTCGGGATCCAAGGCCGTTCAATTAAGCTTGGTTTGTCTATCAGGATGTG  
ATTGTGAAGCTCCGATTCTGGAAGTTAGTAATGTCAGTTTTTGCTTTTCGTCTACTCCTGAATTGATGTTCCGA  
CTGTTTCTGCTATATTACTTCAGAGTATTTGAGAGACAAATAGGTTCCAACAATACTCGGTCTTTATATTGTTT  
TCAATAATATCCTCCTTACTTTTTGAGGTCCTTGCATATCATTACTTAAAGATCCTGCAGCAAATCTAGTGACT  
TCTGGACCTTATGGTCTTTTGTTTGCTTCCTTTGTACCTTCTTCTTTGATATTCCTGTTCAACTCGGTTCCGTGT  
ATTTGGAGTTCGTTTCTCTGACAAGTCTTTCATATATCTGGCTGGTCTTCAGCTCCTTCTGTCTTCGTGGAGAAG  
ATCCATCTTACCAGGGATATGCGGAATTCTTGCTGGTTCCTTATATCGGTTGAATGTATTTGGCATCCGCAAGG  
CCAAGTTTCCAGATTTTATCAGTTCATTCTTTCAAGACTTTCTTTGCCATCTGCGGGGAATCCTCCAGCAGCCC  
CAAACAGAGATGTTAGAGGAAACATGCCATCCTTCATGAGCCGCCCGGTTGAGAGGAACTATCCTTCGGCGC  
CCAGTGCCACAGAACCACCAGAGACGCCATTGCTACACTTTGTTCAATGGGGGT

>trans\_c\_3317 NM\_001057036|Oryza sativa Japonica Group Os03g0565500 (Os03g0565500)  
mRNA, complete cds

AACCACTTCCTCCAGGATCAACAATAAATTTGAGTTTGAGAACATAATTGTAGGACAAGCTATTCCGTCAAAT  
TTTATCCCAGCAATCGAGAAGGGTTTTAGGGAAGCTGCCAACTCTGGTTCCTTAATTGGGCATCCCGTCGAGA  
ACGTTTCGTGTTACCTTGACTGATGGTGCTTCTCACGCTGTTGATTCCAGCGAACTTGCAATTAAGTTGGCTGCA  
ATATATGCATTTAGAAAGTGTATACAGCTGCTAGACCGGTGATATTGGAGCCTGTTATGCTCGTAGAAGTAA  
AAGTACCTACGAATTTCAAGGCACTGTAGGTGGTGACATCAACAAGCGAAAAGGTATTATTGTTGGAATG  
ACCAGGATGGAGACGACTCAATAATTACTGCACATGTTCCGTTAAATAACATGTTGGGTACTCGACATCTCTC  
CGCTCGATGACTCAGGGCAAAGGAGAGTTCACCATGGAGTACAAAGAGCATTACACAGTTTCTAATGATGTCC  
AAATGCAATTAGTAAGCAACTACAAAGGCAGCAAGCCAGCTGAGTAGACGACTACTTGGATGCATTTTGGTG  
TGTTGCTTTTTTTGTCATATCCAAAGTTACGTAGGCCTATTGTTTTCAATTAATTATTGTTGCTGATGATAGGCAATA  
AATTTGAAACAATAAATAAGTAATAACTCTTTATTATTATTACTAGATACTTGCCCTTATCTTCTG  
TCATGGCATAAAGTGGCTTGAATAGTTATTGAATCAAATATATATGGGGTCTTCCTTTGAGCTTTANAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3318 Y17192|Cucurbita pepo mRNA for peroxidase

TTTTTTTTTTCTGGGAAAAACCCCGAAAATGGGGGAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGGGG  
TTTGGGGCCCCCAAATTTGAGGTCCCCCTTTGGGTAAACCCCCCCCCCCCCCGGGTTTTTTGGGCCCTTCAGG  
GGGGGTTCCCTTTCCCCCTTTGGGGGGGGCAATTTTGGGGGGGGGGTTGGGGGGGGTTTTTTTTTTTTTTT  
CCCCCGGGGAAAAGGGGGGTTTTTTCCAAGGGGTTTTTTTTTGGTATACCCCGGGTTTTTTCCCCCCCCCGGTT  
TTTAAAAAAGGCCCGGGGGGGGGTTTTTTTCTCCTTTTGGGGGGAAGGGGGGCCCGCCCCCCCCC  
GGGTTGGGGGGTTTTTAAATTTTTTGGGGGGGGGGGGGGGCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT

[illegible]

AATGTTCAATCCAATTTCAATTCTCAGAGTTCCTCGTTGATCCACCGGTGCTTCAACAATCATGCCTCAATTC  
GTTTACACTTTCCAAATTCAAATCTCCTAAGAGATCACTTCTACTTCATCTTCATCTTCTCCATTTATTACCTA  
CGCGCCAATGCCTCAACTTCTCCACCTCAATTCTCATCTTTCATCTCCAAATTTACTCAAAGACAGCCTAATGTG  
GCAAATCCTTCAAAATTTCCATCTGGGTATTTCTCACATTGTCATCAGCATCGATATTCCAGCTTCTCCGGGTGC  
CATGGTGAATTTAACCCCGTTTTTACTAATGGAATCGGCTGAAATACTATAGTTTAAGAGGTTACAAAAGAG  
GAAAAGTTTGGAGTTGCTTGAATATGGTCAGGAGATTTAGTAGTGAGGCGGAACGAGAGTCTATAGAATATG  
ATGTTGTCATCATTGGAGCCGGACCTGCTGGGTTATCTGCGGCGATTGCGTTGAAGCAAATGTGTCAAGAAAA  
GGGTGTTGATTTATCGGTTTGTGTGGTGGAGAAAGGCGCTGAAGTTGGTAAGCTGCTTGTTTCATATTCAGATG  
GACCATTGTATATGTGAAGTGTGTGCAATTGTGTTTTAATTTGCGGTTTCTTGATAATTTGGTGGTGTGTTGTG  
TAACTTTTGATTTGTTCTCTGTCTCTGTTTGTGGACTTACATAGTATGTCAAATTCCTCGTAATCTGAATTTTAG  
TGCCCTTCTGTTGCATGCCTGGGTGAAATTTGAAATAATTTGAGACCTTTGGTCTCGTCAGGTTGTAAATGAC  
AGCCAAGCCATTCCAGGCTCTCCAACAGTGGTGGGGGAAAGTTCTGGGNTCCATT

TTTTTTTTTGGCTCTCCGGCCCTATTCTGCACCGGGAGATCCTTTCAGGTCAACCGTTCTTTAACTAATAGTT  
TTCTGTAAAGCTACTCGTTTGCTCAGAAACAGATTATTCTTCTAGCTCGATCATCAAATCGATTGTGTTGTTGC  
TGAAAATGTATATTTCTCTCTGTTAATAGATCGGGTCTGGTCAATTTATGGAAGGGATCTGTCCTTCTGATTG  
CTGGGAGTTATTTTCTAGTATGATGATGTGACTACTACAACTCAACCTGCTCTTGTTGGAGTTATGGCACT  
TAATTGAAGTCGACTTCTTTTTCGGAAGTAGGAGAAAAAAGGAGCTGATTTTCAAATCTTGGCTTTTCAATG  
ACGATGTATCAAACAAGAAACATTGGACATCCTTGATGAATCTTGTGAGGTTGAAAGTTTTCTATTCTGCA  
GCAACTACATTTGGAAGAGCGCTACTTCGAAACTCATCAGATAATTGGTGTATCATAAATGATGGAACAGAT  
AATCCAATAATTGTGATGGGCGTTTCTGGGAAACCTGATGAGCTCCTTGACATCAAATCTGTGTTAGGAGATC  
AAATTCCAGTCATCAGAAGGTTCACTGGGGGTGGAAGTGTATTGTTGATCACAACACGGTCTTGTACCTTC  
ATATGTAGTAAAGATGCTGTTTCCGGACTGAAGCCATTTCTCAACCTATCATGTCCTGGAGTAGTCTATTATA  
TAATAAAGTATTCCAAGGAACTGATTTTTATCTTCAAGAAAATGATTATGTCTTTGGTAACCGCAAGTTTGGTG  
GCAATGCTCAGTCTATTACTAAAAGCCGGTGGATCCACCATACATCTTTTCTGTGGG

ACTCTCTTCTCGTTCTTCGAAAGTTCAGCCATGGGATTCCACTGTGGCTTCTTCATCTGCTGCCTCTTGATTTGTT  
CATCTGTGGCTTTTCAATCCGATGAGCTTCTCGTTGATGATGATGAATTTGAAGGGACGCAGCAAATTCAGTAT  
ACCGACGCCGCTCATACTCGATCCACACCTCCTCCAAGTCGTCCGACATCGACTAGGAGGCGATTTTCAGATCC  
TGATTCGGATTCTAAGGTTCAATTCAGCTAGAGCACTCATTTGGGGACTCTGATTTTGCTCCTGCTGGCCTTTT  
TACTGCACGTCTGAAGACTTCGGGCCATGGTGGTCAGTCACTAACAAAGATGCGGTTTTCAAGAGATGCTTTT  
ACCGAAGAGGACAGCAAGAAGTTCACGACCTTGTTGCAAGAAGATGGTTTTCTACACCGTTAGATTGGGAACA

AATGTTTTGAAGTCCTCGGGGAGAGCTATGTTTACTCATCAGTGAAATCAAGATGTCTTGTGCGAGGAGAAT  
TGGATGAACATTTTGTACATACACATGGATGGTGTTAATATTTTGGCTATTAATTATGGTACCCCTGGTGCATGC  
CCTTTTCCCAGACAACTGAACTTCCTTCAAATGGTCTTTTAACTCTCTCACGTTTTTGAAGAGTGGTGAGCAG  
GCTCCTAGGACACCTGTATTGCTGAGGACATTCTTGTGGTGAGACTGGAGAAGGGGAAGGTGTAAAGCCA  
CCTGAGAAGTCATTTTGGGCTAAATATTGGATGTACCTGATACCACTTGGATTGATTGGTATGAATGCCATAAC  
ACAAGCAATGAACATGGCCGAAGAACAGGTTAGTGGCCAAGCAGCAGGACAAGCACAACC

>trans\_c\_3322 NM\_001065644|Oryza sativa Japonica Group Os07g0194000 (Os07g0194000)  
mRNA, complete cds

AAAGCCTTCATTTTCTCTCCCATTTTTTCCCTCTCTCTTTCTCTCTATTTCTCCCCCTGTTCCAATTAGGGCAAT  
ATTCATCTTCTTCCATGGGGCAGCAATCCTTGATCTACAGTTTCGTTGCGCGTGGAAGTGAATTCTCGCTGAG  
TATACAGAATTCACCGGCAATTCACCACTATAGCCTCCCACTGTCCTTCACTTCCCGCCACCAACAATAA  
GTTCACTTACAATTGCGATGGCCACACCTTCACTATCTTGTGCGACAATGGATTCACTTACTGTGTGGTTGCAG  
TTGAGGCTGCTGGCCGACAGATCCCTATTGCATTCCTGAACGAGTTAATGAAGACTTTGTGAAGAGATATGG  
AGGTGGAAAGGCCATGACAGCAACTGCTAATAGCTTGAACAAAGAATTTGGGTCTAACTGAAGGAGCATAT  
GAAGTATTGTGTGGAGCACCCAGAGGAGATCAGTAAGCTTGCCAAAGTGAAAGCACAGGTTTCTGAAGTGAA  
AGGAGTGATGATGGAAAACATTGAGAAGGTTCTTGATCGTGGAGAGAAGATTGAGCTTCTAGTCGATAAGAC  
AGAAAACCTTCGATCTCAGGCACAAGATTTTAGGCAGCAAGGAACGAAAATGAGGAGAAAAGATGTGGTATCA  
GAACATGAAGATAAAGCTGATAGTTCTTGCAATCGTACTGGCGTTGATTCTGATTATCATTTTGTCTGTGTGCG  
GCGGCTTCAATTGTTGATGGATTCTTGTGGCAGCAACATTAGGATTGGTGATGGGATCAATATTACTCGGACA  
GTTTCTTCATACATGCTTGTTTATTGTACAAATCTTTCAGTTCCAAGTCCACTTAACCATACGTT

>trans\_c\_3323 AJ849375|Lycopersicon esculentum mRNA for carbonic anhydrase (ca1 gene)

ACACAAACCTTCTTCAATTTCACTAAGAGACGAAGAAATTGAGCAAAAAGGCATTGCAAGTGACGGCT  
CCTACCTTTAAAAATTGTATCCTCGTTTGCTGTTCTGCCAAAGTTTCGGAAGACATGGCGCAAGAGTCGTACGA  
GGAAGCAATTGCCGGACTTTTGAAGCTTCTCAGTGAGAAAGCTGATCTTCAGGATGCTGCCGCCGCAAAGATC  
CGGCAAATAACGGCTGAATTGGGCGGAACACCGCCTGTTCAAATGGATTGACCCGGTTGATAGAATAAAA  
ACCGGGTTCACCCATTTCAAGAAATCCAAATTCGAGACAAATCCTGATTTGTATGGTCAACTGGCGAAAGGGC  
AAAGCCCAAAGTTTTTGGTATTGCGTGTTCCGATTCCCAGTTTGCCCTTCGCACATATTGAATTTCAACCTG  
GGGAGGCCTTTGTGGTTCGTAATATTGCCAACATGGTGCCACCATTGACAAGACAAAATATTCCGGAGCTGG  
GGCTGCAATTGAATATGCAGTATTGCATCTTAAGGTGGAGAATATAGTGGTGATTGGACATAGTTGCTGTGGT  
GGAATTAAGGGCCTCATGTCTATTCCTGATGATGGGGCCTTTTCCAGTGATTTCAATTGAGAATTGGGTGCAAA  
TTTGACACCTGCCAAAAACAAGACCCAATCAAATTGCAACGATTTGAGCTTTGAGGACAAATGCACAGAGTG  
CGAAAAGGAGGCTGTGAATGTTTCACTTGAAACTTACTGTATATCCTTTTGTAAGAGAAGCAGTGGTCAAC  
AAGAAAAGTGTCATAAGGGGTGCACATTTACATTTGTGTCTGGAGCTTTGAGCTTTGAATCTCGA

>trans\_c\_3324 Novel Gene

AATTAGGGTTTAATATAAAGAGTGGAAGTCCCGTATCATTTTTTTTACGCCCCATTCTGCTATCAGAGCATC  
GGTGAGACAAAGCCCTAACCGCAATCAGACTCACTTCGAGATCTCTTTTTTTCATCTATTTGTATCGTTGTTCAA  
GTGCCAGAAAAAGACGATGGCGGCGGTTCCAGGACAACTAATTTGGGAGATTGTGAAGAGGAACAACCTCTT  
TTTGGTGAAGGAGTTTGAAGGGGAACAGCCGGTGTTCAAGTTCAGCAAAGAGCCCAACAATTTATACAATCT  
GAACTCCTACAAGCATTCTGTTTGGCCAACAAGAAAAGTGTACAAATTCAGCCTGGAGGCAAGATCAATCC  
ATTTTGCTTGCAACAACCAAGAGCAAGAAACAGAACAAACCTTCTTATTGCTTCATAAATCTTTGATGAAGAA  
AGAGTTCGTCGGATGGCAAAAGCTGTAACAAACCAGGTGGCAGACAACTACTACAGGCCAGATCTGAAGAA

>trans\_c\_3325 AY292387|Cucumis melo var. reticulatus cultivar Mashadi profilin (Cuc m2) mRNA, complete cds; alternatively polyadenylated 3

>trans\_c\_3326 NM\_203064|Arabidopsis thaliana GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family protein (AT5G16800) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3327 XM\_002319681|Populus trichocarpa histone ubiquitination proteins group (HUPB902), mRNA

TGGGGGTTTCACAATTGGGAGATCTCTTCTCGACGACCACTTCTCATTAAACCTGCAGGCAAAGTAATCGGGT  
TTAATTTTCTTTGAATTCATTCTGAATCCACCGAGATCAGCCTAAGTTCTCAGCTCGCCGTGCTAGGTTACGCC  
GGTGAGGATGTCTACTCTGCAAGGAAGAGATTGATGAGGGACTTCAGGAGGTTGCAACAAGATCCACCTGC  
TGGCATCAGTGGTGCTCCCAAGACAATAATATCATGCTATGGAATGCTGTTATATTTGGCCCAGATGATACAC  
CTTGGGATGGAGGTACGTTTAAGCTGACTCTTCAGTTCACCGAGGACTATCCAAATAAGCCACCAACAGTCCG  
CTTTGTGTCTAGAATGTTCCACCCTAATATTTATGCTGATGGAAGCATTTGCTTGGACATTCTGCAAAATCAGT

>trans\_c\_3328 AY114165|Cucumis melo alkaline alpha galactosidase II (aga2) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3329 Novel Gene

>trans\_c\_3330 NM\_001060389|Oryza sativa Japonica Group Os04g0613400 (Os04g0613400)  
mRNA, complete cds

AAAGGTTGCCTGTGAAAATACTCGAAAGAAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAAAAAACACCTTCCATA  
CTGCCCTTCGCCGGCGTGAAATCGGAGGAGTATTGGGCTCGAAGCTTCTCGACTGTCGGAAATGGCGAATCT  
CCCCCAGTCCCTTTCATGAATGCTGCCTTTGGAGGTCTGTGTCATCCATCCCTGGTGCCACCGGAGCTCCAC  
CGAACAAGGAGCGAAAAATGGCTTCTTCAGAGCAGTTGGTCTCGACCTCAGCAATCCGGATCTCCGGGAGA  
ATGCTCTCCTTGAACCTTCGAAGAAGAGGGAATTGTTCAAGATTTGGCTCCCTTGTGTGGAACCTTTTTGGA  
ACGATTGCTGCCTTACTGCAAGAGATTGTATCGATATATCCCGTTCTTTCACCCCCAAATCTAACCCCTGCGCAG  
TCAAATAGAGTTTGCAATGCTCTTGCTCTTCTTCAGTGTGTAGCCTCTCATTCAGATACAAGGATGTTGTTTCTC

AATGCTCACATACCACTGTATTTGTATCCTTTCTTAACACAAGTAGCAAGTCAAGACCTTTTGAGTACTTGCGC  
CTTACTAGCTTAGGTGTCATTGGTGCATTAGTGAAGGTAGATGATACAGAAGTAATAAGTTTTCTTCTGTCAAC  
TGAAATAATTCCTCTATGCCTGCGTACCATGGAAATGGGAAGTGAGTTGTCAAAAACAGTTGCAACATTTATT  
GTGCAGAAAATTTTGCTGGATGATGTGGGGTTGGATTATATTTGTACTACAGCTGAGCGATTTTTCGCTGTTG  
GTCGGGTTCTAGGGAATATGGTAGCAGCTCTTGCTGAACAGCCCTCCTCTCGGCTATTGAA

>trans\_c\_3331 Novel Gene

ACGGCCATTACCCTTTTTCCCTTCTCACAAAGCCGAAAGAATTGCAGGACAATAAGAAGACGAAGAAGATTG  
AAGGAAGGAAGTGGGAGAGGATATCATACAACTTTATATCCCTTGATAGCGTCTGACAATTCCTTCCTGGATA  
TGGCTGAGAACAAAGGGGTTGTGCCTCCACCCACGATTTGAATGCCAAGTGGGATGCTTGTCTTGATTTGAC  
TCTGCGTCGATTCGTTTACTCTTCCTTCGCTGGTGCATTTGGTGGCCTCCTTTTCTCAGGAGTCCGGTGACTCG  
TTGGGCATCTATTGCTTTTGGTGTGATTGGGCATTGGGTGAGCATACACAGATTGCAATTCCTTATTCAAG  
GTTCCACCGCCAAATTCACGTCTCCAAAAATCACTGAGGCTCAACCTTCACAGGAGGGTCAAGATTAAGGACA  
AATCATGTGAGAAGCAAGCCGTCTTGAGATTGAATGGATGTGAAACCGTAATTTTACTTGAGATTGTTGAAGC  
TTACGTTTCCCATGTTTGGTTTCCATTGTGTAATACAACTTTTTTGCTTGTGACATTATATTTACCTCCATGC  
ACGCTGCAGATTTTTGTAAGCATCTGTAACTTTTCCCTGTTGCTCATAGAGTTTTCCCGAGCTGGAGAGGAAAAA  
AGAAATCAATAAGTACTCTTCTTGCCACCTCACTTTGTTTATCTAATTCATGCTTTGACAACCATCTTTGTATC  
ATACTCTTTCAGTTTGATGGCTTATGTAGTGGGGAACTTGATACAATATTTGGACTCTGGTTGATGAACT  
TAGGTTTCGCTTTTGCTTTTGTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3332 XM\_002871569|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

ATAGAGAGAACTGAAAATTTAATCTCCAAAATTAAGATGATGATGAAGCTTAGGTCAAAGAAATTCTGCC  
GAAGCTCCACTTTCAAATTTGGCTTTGTACCAGCTGTAATAACAAGATCAAAGTCGCCGATGACCACCACAA  
GGACTCCGCCGCTGCCGCCGCCACCTTGACGGAAATTAAGTGGGAGCTCCGCCAGGTGGTATGCTTGTGCA  
GAGGAGAGAAATCGCCGGCCAATCTACTTTGGCCGGAGAAGATGAAACAATCACTATTAGAGTTTCAACTGT  
CTCTCAATTTTATGACATTTCTGTTCAACCCACCTCTACTTTTGGGGAATTGAAGATGATTCTATCAATGGTGAC  
TGGTTTAGAAGCAAAGAACAAGATTATTATTCAAAGGGAAAGAGAGAGATGATTGTGAATATTTACACAT  
GGTGGGGGTTGGACACAAACACAAAGTTCTTCTACTTCAAGATCCAGCTATCAAAGAAAGGAAGCTTCATGCT  
TTAGCAACAACCCAACCAATTAGTGTATAATATTAATTATTATTATTAATCTCATCATAATTAATTAATTAC  
TACTAATTAATCCCAAAAAAAGACAAACACATGTTTTATTTTTAGATACCCACTAACCTAAGAGGAAAAAC  
AATTATGTGCCAAAATTATTGCCTGTCTTTAATTGAAGGCCTTAATTTGTTGTTTTGTTAGAATTTTGGTGGTT  
TAAATATATAATATATATAATGTATAATGTATTTGTAAGACCGTTTGAGCAAATTTGAGGGCATCCATTATAT  
ATATGGATTCTTATGTGTAATATGATGATGATGCTTGTCTGAGTCATTATGTTTGTGATT

>trans\_c\_3333 AF383150|Manihot esculenta phenylalanine ammonia-lyase 3 (PAL3) mRNA, partial  
cds

ATGTCCAAAGTGCTGAGCAACATAATCAAGATGTCAACTCTCTTGGTTTAATCTCATCAAGGAAAACAGCTGA  
GGCATTGACATTCTAAAGCTCATGTCAATCCATTTTTGGTTGCTCTTGCCAAGCAATTGACTTGAGACATTT  
GGAAGAAAACCTGAAGAATGTAGTGAAGAGCACAGTAAGTCAAGTGGCCAAGAAAGTTCTCACCACAGGTGT  
TAACGGTGCATTCATCCATCAAGATTTTGTGAAAAAGATTACTAAAAGTAGTTGACAGAGAATATACGTTTG  
CCTATGTGATGACGCATGCAGTGCCACTTATCCATTGATGCAAAAATAAGACAAGTTCTTGTTGAACATGCT  
TTGGAAAATGGTGAAGATGAAAAGGATGCAAGCACTTCATTTTTCAAAAATTAGAGCTTTGAGCAGGAAT  
TGAAAGCTATCTTGCCGAAAGAAGTAGAAAATGCAAGATTGTATATGAAAATGGAACATCCACAATTGAAA  
ACCAAATTAAGAATGCAGATCTTATCCACTGTACAAGTTCGTGAGGGAGGAGTTGGGAACTGGATTGTTGA

CTGGAGAGAAGGTGATATCTCCAGGAGAAGAATGCGAAAAGGTATTACGGCTCTTTGCCAAGGAAAGATG  
ATCGACCCAATTTTAGAGTGTTTGAAGGAATGGAATGGTGCTCCAATCCCCATCTGCTAGTTATATTGCAACCA  
AACCGAAGGATCCAACCTGTTCAATTTACTGATGGATAAGAAAAACNAGCCCTTAGCCTTAATTTTTGTTCTG  
TTTTTTTTTTCAGTTTTAAATATACATCAACGTGTAATATTTGGAAAAAAGTTCCGTAATTAATATT

>trans\_c\_3334 NM\_001060755|Oryza sativa Japonica Group Os04g0671700 (Os04g0671700)  
mRNA, complete cds

AAGAAGAATTTATTTTTGTACATTCTTGATAACATTCGTAGGCAATACCAATCGCTAACATTCTTTATTTCCAAT  
AACGTTGTTCTCATCCATTTCTTGATCCAACAAAATATATGTGTTTACGAGTTGAGGCGTGGAGCGGATTGT  
GTGGAGGTGTAGAATATGCCAACATTATTTGTATACTATGTTATCGGTGGCCTATATCCTCTCACCTCGTTGA  
TTCCCCCCCCACATTTGGTTCCGGAAGAAGAGCACTGAACCTAAGATATGGCTCAATCCAAGTCCAATCTGTTCT  
CCTCCTCTGCGGCGACTTCATGGAAGACTATGAGGCGATGGTCCCATTTCAAGCGCTACTCGCGTATGGGGTT  
TCAGTGGATGCTGTTTGTCCGGGGAAGAAAGCTGGCGATATCTGTGCGACCGCTGTTTCATGAGTCGTTGGGT  
CATCAGACCTATTCAGAATCTGCGGGGCACAATTTGCGCTGAATGCAACGTTTGATGAAATCGATTTTGACAA  
ATATGATGGGTTGGTGATCCCCGGAGGACGAGCACCAGAATACCTGGCTATAAATAGTTCAGTGCAGAGTTT  
GGTGAGAAAATTTTACAGAGTCTGGGAAGCCAATTGCAACTGTTTGCCATGGACAGTTGATTTTAGCAGCTGCA  
GGGTTGGTTAGAGGTCGGAAGTGTACAGCATACCCACCTGTGGGACCTGTCTGGCTGCTGCTGGTGCTTCTT  
GGATTGAGCCAGATAGTTTGGCAGCGTGTGCTATTGATGGTAACTTAATCACTGCTGCCACGTATGAGAGCCA  
TCCTCAGTACATTCAGCTTTTTGTCAAAGCACTTTGGAAGAAACGCCAGTGGATCAGATAAAAA

>trans\_c\_3335 XM\_002327065|Populus trichocarpa lysine/histidine transporter (PtrLHT4), mRNA

AAGCATCATTATCATTCTCTTCCCCAACCTCCTCAATCAATCAATCATTCTCCATTTTCCACTTTCACCTTTCACC  
TACTCCCCTCTTTCTTCTCTCTATATTATCAAATGCCCTCAGTTCATTGCTCAACTGAAGATCACAAC  
TATTTACCCCTATGGAAGAGAGGCCGGAGACGGAGCTTATTTCCATTCCGGCGACCCACGAGTTTCCACGCC  
GGAGATTCTCACGCCGACGGGTCAGAGGTCGCCTAGGCCGCTTCTAAAGAAGCTAAGTCTTCCACGGCATG  
GACTCCGACGTCGTTCAATTCGCCGAGTTTTTGTAGCCCCATTGGGACTCCCATGAAAAGGGTCTTATTAATA  
TGAAGGGTTATTTAGAGGAAGTGGGTCATCTCACTAAGCTTAACCCACAAGATGCTTGGCTTCCATTACCGA  
GTCGCGTAATGGTAATGCTCACTACGCTGCTTTTCATAACCTTAATGCTGGTATTGGCTTCCAGGCTCTCGTTCT  
GCCCCGTTGCCCTTCGCTTTCCTTGGCTGGAGCTGGGGTATACTATCACTAACCATAGCCTATTGCTGGCACTTT  
ATACCCCTTTGGATCCTAGTTCAACTTCATGAAGCAGTTCCAGGCAAAAGGTACAACAGATATGTGGAGCTTGC  
TGAAGCAGCATTGTTGGGAAAGATTGGGTGTATGGCTTGTGTTTCTACTGTCTATCTATCAGCAGGAACT  
GCAACGGCATTGATTCTCATTGGAGGAGAGACAATGAAAACCTTTTCCAAATAGTCTGTGGGCCACTCTGTT  
CATCAAATCCTTTAACAACCTGTAGAGTGGTACCTTGATTACATCTCTCTGCATTGT

>trans\_c\_3336 U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

ATCACGATCTGGTGACCGTGAACCTTGCTGAGGAGTTGCTTGTTTACTTCATTGAACAGGGGAAAGAAGGAATGT  
TTTGCTTCATGCCTCTTTGTTTGTATGACTTAATCCGGGCTGACGTTGCTCTTAACTTGCCTGGATCAACAAC  
ATGGTCGACTTTGCTTTCCCATACCTGTTGCAGTTTATCCGAGAATATACAGGAAAGGTTGATGAACTAGTGAA  
GGACAAGATTGAAGCTGCAAAAGAAGTGAAGGCTAAAGAGCAGGAAGAGAAGGACGTTATTGCTCAGCAGA  
ACATGTATGCTCAGTTGCTGCCTCTTGCTCTGCCTGCACCGCCTATGCCGGGTATGGGAGGAGGACCAGGAAT  
GCCAGGGTTTGCTCCTGGACCACCAAAATGGGTGGATTGGGGATGCCTCCAATGCCACCTTTCCGCATGCCA  
CCAATGGGTAGCAGCTATTAACCACATAGACAAACCTAGAAAGAAAGCGGGATCGATTTATAGATTCTAGGG  
AGAGTTGAAAGAAAGAAACCTTGAAAATGGGGAGGGCTTTTCTTACCTTAATTCTAGGCTTTCTCCCCAGTT  
GTTCTCGATGGGTGAAAAATTCATGAATTTTTGGCATTCTGTTTTCATGTGTTATAGTGCTTGTGGAGTTTTTA



ACTTTAATTTGTGTTGTAATATTCTTTTGGTAGCGCAGGCATTTTTTTCCGGATGCTCTGGTGCACCAACCTGAG  
GGTTCTGTATTTTAAGATTTTTTCTCCTCCACTCCTATATAGCCTGGCCTTTCATTANGAAATGCTACTCTAAACG  
ATGATAAAACCCAGATTCATAGATTATTGTCTTTTCTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3337 AY058843|Arabidopsis thaliana AT3g27090/MOJ10\_18 mRNA, complete cds

TGCGGATCCTTACCTGAGCCGGAACCTGGATTTACCTTTACATTTCTGTCTTCCCAGGCAGTCGGATCAATGT  
TGGAGCCCCCAAACTTGATGCCTCAAAAATCCCATGTAAGTATGGGTGGTGTAGTTATAGAGAAACAGAG  
GCAAGCCTGGAGTTATTGCACGCACCGAGTCCCGATACCTTGGAGGCAAACCAAAAAAGTTGCCTCTTTAAGTC  
TTCTTGCATGGTATCATTGTTACAGACAAAGATGTATCCACCAAGAACTTCATTTCTGGGCAGTGTCTCTGTTG  
CTGGCAATGTCTTGAATCTTTTATCAATTGCATTGATGGAGTTAGCATTTTCACCAACGTTATTGTTGGTACTAC  
TGTAATTGGTAAGATCTTTGTTGATATAATCATTGCTACTGAACTTGGCACCAGGCAGATTTCCGGCAACATTC  
GTATTGTTTTTCCATAAACTGCATTCATGTTGTAATTCATTCCCTCAATGAACTTTTGTTAACAGGGTCGGTC  
ATTTTTGAATCCAAGCTCAACATGTTAAAGTTGAACTCTCAAATTTGTTATCTTCTGAAAACCAAACTTTTCC  
CTTGGCCTTGATCAAGAGAGCTCTTTGAAAAATCAAGGTTATTCATGCGCTCCCCCTTTGATCTTGTCTGCTCA  
GCCAGTTTAGATGCAGCCCATAACCATTATGATCCTCAGAGACTTTTGTCTGACCTCGCAGCTCATCACCCAA  
TTGCCAAAAGCTATATGAACCATCCATATTGCAGCACTTGATTGTGATAACGATGAATGAATGGAGATCCCTTT  
ACACTGAGAGTAAGAAGCCCTAGATTTAGGGATCCAGAAATTGTGAGAGAGAAAGA

>trans\_c\_3338 XM\_002878754|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADP-ribosylation factor 3 (ARF3),  
mRNA

GTTACCCAAAATTTCCAACCTCATTCTTTGAGAATTGCGATACCAATTCAAGTACATCACCACCCACTTCTTCTTCT  
TCTTCTTCTTCTTCTTCACTCTGACTCTTCTCTACAACGCCACTTCTTCTCTAGATTCTCTTTCAATTCACAATCC  
TCCCTCATAACAACGCAGGGATGTATTGAGCCTCTGCGTTTGAGATCTGATCCTTTAATCTATCTATAACTATAA  
CCCATCATTTTTTTTCTTCACATCATGGGGATTTTGTCTACTCGAATGTTTTCTTCGCTTTTTGGAAATAAGGAAG  
CTCGGATCCTTGTCTTGGTCTCGATAATGCTGGAAAACTACAATTCTCTATCGGCTTCAGATGGGGGAGGTT  
GTCTCCACTATTCCAACAATTGGGTTAATGTTGAACTGTTCAGTACAATAATATCAAATTCAGGTCTGGGA  
TCTTGGAGGACAGACTAGTATCAGACCATACTGGAGATGCTATTTTCAAATACGCAAGCTATAATCTATGTG  
GTTGATTCAAGTGATACTGATAGTTGGTGGTAGCAAGAGAGGAGTTTCATGCAATACTTGAGGAAGAAGAG  
TTGCGGGGTGCAGTTGCTTTAGTTTTGCAAATAAGCAGGATCTTCCGGGTGCATTGATGATGCTGCAGTCA  
CGGAGGCTTTAGAGTTGCATAAGATTAAGAACCGCCAATGGGCTATATTTAAAGCCTCCGCTATAAAAGGAG  
AAGGTCTTTTTGAGGGATTGGATTGGTTAAGTAACACCCTGAAGTCTGGAGGTGGCTAATTCTTAGCAGCCAA  
AATGAATATTTGAGGCACCCAGTTGGAGAATACGGTGTTTAAAGCGTATAACTT

>trans\_c\_3339 AY254569|Gossypium barbadense auxin responsive protein IAA-Re (iaa-Re) mRNA,  
complete cds

GGCGGCAGTGGACGGCGGAGGGATTTATGTGAAAGTCAGTATGGATGGTGCTCCTTATTTGAGGAAGATTGA  
TCTGAGTGTTTATAAAGGCTATCCTGAGCTTCTTAAGGCTTTGGAGGATATGTTCAAGTTCACCATCGGTCAAT  
ACTCCGAGAGGGAAGGTTATAAGGGATCTGATTTTGTCTCAACTTATGAAGATAAAGATGGTGATTGGATGCT  
TGTGGGTGATGTTCCATGGCAGTAAGTTCCTTATTCTAATGTTCTTCAAGAATTTAAGATTTATGTATAACGAA  
ATTCCAACATAAATTTTGTGGTGTTCAATTTAAATGCAGAATGTTTATTTTCATCTTGTAAGAGGATGAGAATC  
ATGAAAGGATCTGAAGTTGGAGGATTAAGCTGTGGCGTATGAAAAAGAAAGGGAAAAAACGATGAAGTTT  
GATTTAATTTTCTCGAGAAACAAAAAGAGGAGAACAAGGAATGGAAAAATTTCTGTTCCGTTTCTCGGAAAAAG  
AAAATCTGGTCCGTCGGGAGAATTTCCGGTGACGGTAATCCGAACGGACGAAAAGAACTGTGCGGGAAGTA  
AATATATTTTGTCTTCTTTGTTGAAAGTTTGGATTGTGTAACAAAGTTAGGGGGGGGCTTTGTGGGTGATA

GTATGATATATTAAGATGACTTTTTTCTTTCTTTTGGGTTCAATGAGATCTCGATGAACTTTGTAAATAA  
ATATGGTGTGAAATGAAATTGTAATTAATGTAATGCTTTGATTGAAATGAAGATTGTTTCATTTTGAATAA  
AGTAATAACATTGTTTGCTTGAGGATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3340 DQ988169|Brassica napus photosystem I P700 apoprotein A2-like (psaB) gene,  
complete sequence; and photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

TGCCGAGTTCCTTAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCTGTGTCGGTTTCGGAA  
AAAGAGCTCCAGTATAAAGATCCCCATTAGTGCGTAAACCGATTGTATACCACCACTGATAAACACCAGAATA  
AGCGATATTCACTGGGCCAAGAGCACCACTCGAGTAAAAGCTTCGACGGCCGGTTGACCAAAATGAGGATC  
CCAAATTGCATGAGCAATAGGTCTTACATGTAAAGGGTCTGTACCCATGCTTCAAAATTTCTTGCCAAGCTA  
CATGAAAGAGATTTCCGGAAGTCCACAGAAAAATTATTGCTAATTGCCCGAAATGAGAAGCAAAAATATTCTG  
ATAAAGACGTTCTTCAGTAATATCATCATGACTTTGGAAGTCATGCGCGGTAGCAATACCAACCAAATACGA  
CGAGTAGTGGGGTCTGAGCTAAGCCTTGGCTAAACCTTGGAATCTTAGTGCCATAATGCCTTTCAAATCCTC  
CTAGCCATTATCCGACTGCAATAATTCTTGCTAAGAAGAACGCCCATGTTGTGGCAATTCCACCCAGAAGGTA  
ATGGGTTACTCCTACAGCACGTCCTTGACAATGCTCAAGGCTCTAGGCTGAGTAGCAGGAGCAACTTTTAAT  
TTATTATGAGCCCAAACGATGGATTCAATAAGTTCTTGCCAATAACCACGCCCGCTGAATGAGGGTGCCGGGT  
CGGGGATTGCGTGGGGTGAGCACCTAGGAAAAACAGGCCATATGCAGATAATGAAGAACCATAAGACTGA  
ATTACCTGGGATGCCTGTGCCATAAGAAATCGCGAATCCCCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTTC

>trans\_c\_3341 NM\_001051560|Oryza sativa Japonica Group Os01g0885600 (Os01g0885600)  
mRNA, complete cds

ACTCCTCCATCCTTTGCTTTACACCCATTTGCGCTTTGATTCTCCTCAATTCTCCACCTAAACATTCCCCTCGCC  
GGATCTTCCTTCTCTAAAGGAAGCTCTCGCGGCTTATGATTCTCTTTTTCTTTCTGCCCAGCAATGCCGA  
TAGTTTCGACATTTGCGGCTACATTTCCGGATCCCTTCTTGATTGCCCCGACAAAGGCTCTGCGGTACGATTC  
ATCGCCGTATCAGCTGGCTTGCCAATCCGCCAGTTTCAACTGCCATTTCCAGAATGGCATGCACTTGCCCCGA  
TTTGCTCATGGTCGTTCAAGCATTGCAGGTAAACATTCATCTATCCGTGCTGCATTGTTGGATGAAACAGTTTC  
ACATCAAAATCTCGGAAAATTGACGTCTGAAATATTGGCTTTTGATCTTGTTCAAGGAGAACTTGTAAGTGG  
AGTAATGTAATGGATAGGTCACCCGATCCACCAACAGCAGTCTTCTGCATGGAATTCTGGGCAGCAGAAAGA  
ACTGGGGAACCTTTGCTAGAAGATTGGCAAAAGAATTTCCAGCATGGCAGTTTCTTTGGTGCATTTGCGATG  
TCATGGCGATTCAACCTTAACCTACGAAGATGAGCCCTCACACTGTTTCTGCTACTGCTCTTGATGTATTGAAGC  
TGGTCCGACAGTTGAAAATAACACCTCGAGTTCTAGTTGGGCACAGCTTTGGAGGAAAAGGTGCTAATGGTA  
CTGGTGCTTTCTGCACCTTAAATTATCTTTGCAGTTGTCTTGAGTATGGTAGAACAGGCTGCTAAACCTCTTGCC  
CGGCCAGTGAGAGTAGGTTTGGGTTCTGGATGCCACTCCTGGAATAGTTGACCTG

>trans\_c\_3342 AY050317|Arabidopsis thaliana AT5g55190/MCO15\_14 mRNA, complete cds

ATTTTAACTAGATCTATCGCCGATTTCTTCATCTCCCACTCCATTTTCAATTGACGCTATCCTATGGCTTTGC  
CGGACCAGAAGACTGTTGATTATCCTAGTTTCAAGCTTGTCATTGTTGGTGATGGTGGCACTGGGAAAACCAC  
ATTTGTGAAAAGACATCTCACAGGGGAGTTGCGAAAAGAAATATGAACCAACCATTGGCGTGGAAGTGACCC  
TTTGACTTCTTCACAACTGTGGAAAAATTAGGTTTTACTGCTGGGACACTGCTGGGCAGGAGAAGTTCCGT  
GGTTTACCGGATGGCTACTACATCCATGGGCAATGTGCAATCATCATGTTTGATGTTACTGCTAGATTGACATA  
CAAAATGTTCTACATGGCATCGTGATCTTTGCAGGGTGTGTGAGAATATTCCAATTGTTCTTTGTGGAAACA  
AGGTAGATGTGAAAACAGGCAGGTTAAGGCCAAGCAACTCACATTCCACAGGAAGAAGAACCTACAGTACT  
ATGAAATATCTGCAAGAGTAACATAATTTGAAAAACCATTCCTCTACTTGCCAGGAAATTAGCTGAGGA  
TGCAAAACATTCATTTTGTGAGTCTCCTGCCCTTGCTCCTCCAGAAGTACACATTGACTTGGCTGCCAGCAACA

GCATGAAGCTGAATTGGTAGCAGCTGCCAGTCAACCTCTTCCTGATGATGATGACGATGCTTTTGACTAANAC  
TGGTCGATCAACTGGTGATGTTGCCCTCTGCGTATCTATTTAAGTGAGATCTTTTTCTCCTTGCTAGGATTAT  
TAGAAGGGGATAGTGCGCAGGGTATGGGGTGAGGATTGAAACTGAAATTTGAGAACGTT

>trans\_c\_3343 NM\_001065710|Oryza sativa Japonica Group Os07g0211800 (Os07g0211800)  
mRNA, complete cds

GTTGGGCGGGGAACAGAGAAGCTCAAGGCCCTCTTTTCATTCTTCTCATGGCGATCCGACCCAATCCTAACA  
AACCCATCTACCATTTCTTCTACAATTCCAATCCACCATTATTGAGAGCTGTGGATTGAATAAAGAATGTTTTA  
GATTGTAATCGGCAATGATTTGACTGGGGTCTGTGATATTTGACATGAATCTCTCGCTTCTTCTTCATCTCAA  
TCTTCAATTCCTCCCGTATCTGTATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCCTACTCCTCTTCGTCGTCTCAACCACT  
TCATGGCTCTCCGGCATAGTTCGCGGCCGTTCTGATAGGTCTGCGAGCATGAAAATGTCGGCCAACACTTCCT  
CTGGCTCTCCTGTTGGGGATTCCCCTGGTCCTGTCGTCAAGAAGAATCACTTCCGTGGGTTTCTTTCAAGTAC  
GGTCCCAAGCCAATTCAGGTTGCATTTAAGACAGGAGATTACAAACAGCAAGTTATATTCATTGGTGGATTGA  
CCGATGGCTTTATGGCAACAGAATATTTGGAACCTCTTGCAATTGCTTTGGATAAAGAAAAATGGTCACTTGTT  
CAGATACTTCTCTCATCATCTTATAGTGGATATGGTACCTCCAGCTTGCAACAAGATGCCAAGGAGCTTGATCA  
GCTAGTAAGTTATTTGAACAATAAAGAAGACTCTGAGGGTGTTGTATTACTTGGACACAGTACTGGCTGTCAG  
GATATAGTCCATTATATGCGTACGAATGCGGCTTGCTCTCGAGCAGTTCGTGGTGCCATTTTGCAGGCTCCAGT  
TAGTGATCGAGAGTATAGAGCAACTCTTCTGAAACAGCAGCCATGATTGACTT

>trans\_c\_3344 XM\_002884517|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATBPM2, mRNA

ATGTTTAGACTTTCTTTTTCAAATCGAGCTCTTTCATCTTCATCTTCATCTTCTTCCCTCGATTCTGATT  
CTTCCATTCCCACCTCCTTACCCGAAGGCTTTTCTCAACTCTCCCGCCTCCCAAATTCATAAACTTTGCCGCTGA  
TTTTCACTTTAAATTTCAAACCTTCTTCAATTCTTACTTTTAACCTAACCAACTATTTCAATTTTGCTTTTTTCG  
TGAAGATTATCATTCAATTTTGCAAAAGATCGATTGTTCTCAAACCTTTAGTTGATGGGCACAATCAAATTGTTT  
AGAGAAGCCTCTAAAGCCTCTTGAATCCTTCTCAGCCTTACCGGTGACCTCCTCTACCGCTCGATTGAGAC  
CGTTAATGTTACGCATGATTTCAAGATCAATGGGTACTCCCTCAATAAAGGTATGGGAATTGGGAAATACATT  
ACATCCGATACGTTTCTTGTTGGTGGGTACGAATGGGCTATCTATTTCTATCCCGATGGTAAGAGTATGGAGG  
ACAACGCCGCGTATGTCTCTATTTTCATAGCGTTGGTCAGCGACGGCGCCGATGTTAGGGCTCTTTTTGAATTG  
ACACTTTTCGATCAGAGTGGAAGGGAATCATAAGGTTTCATAGCCATTTGAAAGGAGGCTCGAGAGCGGT  
CCATACACCTCAAGTATCGTGGAAGCATGTGGGGTTATAAGCGTTATTTCAAAGAAGCTCTTTGGAGTCATC  
AGACTACCTTAAAGATGATTGCCTCTCGATTAAATGTGTTGTTTGGTGTGTTAAATCACAACGGAGGGACCT  
AAAATCTATTCTATAACACCACCTCCCTCTAACATTGGCCAGCACTTG

>trans\_c\_3345 AY109778|Zea mays CL3683\_1 mRNA sequence

AATCCTCCATCCATCCATCTTCTTTCTTCCGTTACAGAGAGATATCGAGAAAGCTCCATTGAAATGGAAGAGAG  
TAGCAGAGCCACCGTAATCCGCCAGCTGCACAACGCGAAGTGCTCATCGGGAAAATCTTACAACCAGATAGC  
ACAAGAGACTGGCCTCACTAACGTCTATGTCGCTCAACTTCTCCGCCGGCAAGCCCAGCTTAAGCCTGATACTG  
TCCCTAAGTTGAGGTCCGCCTTGCCCTCAACTACCGATGATCATATTCACAGATGATGCGGCCGCCAATGAG  
GTCTTACGATCCTTGTTTGATTCAAGAACCACAGTTTACAGCATGTCAGCCATAGACTTCTACTGCTCAGTTGA  
CAAGGTCCAGGGTGTTGATGGGAAGGATCGTGTCGTGATTACATTGATGGTAAATATTTGCCCTACACTGAG  
CAGAAGGTAGAGCACATGGCTTCAAACAACCGATGCAGGAAAGCTGAACAAGATTCTAAAGCTGGAATCTG  
TATTGTAATTGCTTTACATCGTTCATCTGAAAATCTTGATGATTAAATGTGAAGCTGCATGTTTTAGAGTATGA  
AAGCCGTGCGTCCATGTTCTTTGGCTTCTAAGTGTTTGATGTGATCGAGTCATGACCAAGTTTGGCCCAAGT  
AATTTTCAGGGCTGCTTGTTGGTGGTGAATAACATGTCTTTCAGCATCTTTATTTACGTTGTTAGCTCCATAAAT

TGATTGTTTATCAGGACATAAGACATGCAATTGTCTCTTCTACCAAGTCAATAAAGTGTCTTTAATTGTTTAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3346 HM122689|Malus x domestica TCP domain class transcription factor (TCP1) mRNA,  
complete cds

ATGGAAAGATTGGTTTTGGTCTGTGGAGGAGAGGCCGTAAATTCTGTTGAAAATCTTACTCCTGATTGCCTTG  
GATGGGCTGGTCTGGTCTATGAACACGTTCTTGGGGAAGAGAAATATACCTTTGTGGAAAATGTGAAAATC  
CTCATTCATGCACTATCTTGATCAAGGGACCTAATGACCACACAATTGCTCAAATTAAGGATGCTGTTCTGTGAT  
GGTCTTAGAGCTGTTAAGAACACCATTAAGATGAATCCGTTGTCATGGGTGCTGGATCCTTCGAAGTTGCTG  
CAAGACAATATCTGGTTAATGAAGTGAAGAAAACCTGTTCAAGGACGTGCGCAACTTGGCGTTGAAGCTTTTGC  
TGATGCCCTTCTTGTGGTTCCCAAAACACTTGCTGAGAACTCCGGACTCGACACACAGGATGTGCTCATTGCAC  
TTAAGGGGGCGCACGACCGGGGCAACATTGTAGGGCTAAGTCAGCATACAGGAGAACCAATTGACCCCCAAA  
TGGAGGGTATCTTTGACAATACTCAGTGAAACGCCAAATTATCAATTCTGGGCCTGTAATTGCATCGCAGTTG  
CTATTGGTTGACGAGTAATTCGTGCTGGCCGCAATATGCGAAAACCTACTTAGGCACCGCCCAATGTAATT  
TTTAGCTGTTTTTTTTTTGTGATCTGCTGGAGTGAGTTTTGAGCTACTTTTCTTGTGTAAGATATACTGTTTGAG  
TTGTTGGGAAGCCTTTGCCCCATTACTGTAGAACTTTTTCTTTTATCCTTTTTTGTCTCAGAAATGGAAAAG  
AAAAAAAAAATAGAGAAACCCCTTTCCCTATTTTTTTTGGAGGTATTATAAACAATTAG

>trans\_c\_3347 HM122554|Malus x domestica GATA domain class transcription factor (GATA3)  
mRNA, complete cds

AAAACCTTTGGAATCTGCAACTGCCCATCTGACCCATCTTCCATTTCTCTCCCTTGCAATTATTTTTTGTGTTTTCT  
TTCCCCCATTCTCAAACAGAAGAAATGGAGTTTTTGAAGCTAAAGCTTTGAAATCAAGTTTCCATTGGGAAT  
TAGCCATGAAATCTGCCCAACAAGATGCTTTGGTCGAGGAAGTTTGGTGTGTTGAACGGTGCTAATCTCGTTTC  
CGGTGAGGATTTTGAATCGAAGAGTTCTTAACTTCTCTAATGGCGATTTAGAACATGGGTCTTCTTTGAGA  
CCTCAAGAAGATGATGATTGTGAAGAGTTTGAAAAGAATCGGTTCTCTCTTTCGTCTAATTCGAACCAGACCG  
GTGGGTCTCCGGTCGTCGGAGATGAGGATTCTAAGTCGCTTCTTGCTGTTGAACTTGCTTTTCCGGGCGATTCT  
CTGACGGACCTTGAATGGGTTTCTCAATTTGTCGACAATTCTTCCTCGGAATTTTCTGTCCCGCCGTGACTTTC  
AACCGCTCCGAACCGGAGAAGAACTACCGGAACAGTTATTTCTGTGTTGCCGACGTTTTTTCCGGTCAGAC  
CGAGGACAAAAAGGTCTAGACAATCTCGTCAAGCGAAATCCGCAGGTTCTTCTCTCAACCAATCGACGTCATC  
GACCTCCTCTCGACCTCCTCCGGTGTTTCTCCGCCGACCTTGGGTTATATTCTCCGACGCCGGTGAGAACG  
TGGACTTTTTAAACGTGACCGGTGAGCCTCCGAAGAAGCAGAGGAAAAAGCCATCGTCGCCGTGCGCTTCGTC  
AACGGGTCTTCTACCCACCGGTTGACTGGTCAAATTCGCGGCGGTTGCAGCCATTGT

>trans\_c\_3348 AM233528|Lycopersicon esculentum chloroplast partial mRNA for red chlorophyll  
catabolite reductase (rccr gene)

AGATGAACTCACTGCCAATGGCGTTGATGGTTTATGCATCCGCAAAACCTTTTAGTCTTCCAACGCTGGTAGC  
AGCACAATCTTGTTCAGAGCAAGGAAACCGGCAAGGGTAATGAGGAGCACGTCGTCACACATGGCGGAGG  
GATCGTCCTCGAAGCTGAAGGAATTTCCGCATCTATCGAGTTCCCAAAGAGCTCTGATGGCCGATCTCATCAA  
CGCTATAGAAGATCGGTTTCGAGGATCGTCTTCTTCTGTACGCTTCTCCTGATGTTGAGTATTACCAGAATC  
AGAGCGGGACTTCGGAAGGCGCTCTTCTCATCAGATCTGGCTCGCCGACTCTTCGATCAATTTATATTGGC  
AAGTTGGTTGCACAGTCAATTACCAACTGGAGCATCACTAAACATAGCAAGCCTTTCTGCCTACTTGAGACCTT  
CAACTGATGCTCCAAATTTCTCATAGAGTTCATCCAAAGCTCTCCAACCTCCCTCATTCTCATTCTCGATCTTCC  
TCCTCGAAAGGATCCCGTCTCAACCCGACTACCTCCAATCTTTCTACGAAGACACAAGATTAGACACTTATC  
GCAAAACCATTAAGAAGTTCCTCGAGACTCGACCGTACGTCATGTCCTCGCTTTTCTTTCGCTCCTTGGTTTCTC

CAACTTCCATAATTTCTCGTATCGATACAGAATCAGGTGGACCTGAACGCATGGAGGAGATTATAAAGAACCA  
CGTCGGTCCCATTGCGAGAGATGTAGTTCGAGTATGGGTAGATGAATGTGCTTGCAAGGAGAGAGAGGTTG  
GAATGATGGAAAGAGTTGAACTTGAGAAAAGAGATAAGTTAGTTAAGAAGAAAACATTGAC

>trans\_c\_3349 XM\_002316883|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC003),  
mRNA

CTTCTTCTCCAATTAACAAAGCCTAAAAATTTTGTTACAAGAAATAGTTGTTGGATGGAAAATCCAAAGTCGG  
CGCTCGAGACCGATTAGAGCGGCCGAACCTGCCGCCGGGATTCCGGTTCCACCCTACCGATGAGGAGCTGG  
TGGTTCACTATCTGAAGAAGAAGGCTACTTCTCTCCCCTTGCCGGTGGCCATCATCGCCGAAGTTGACCTCTAC  
AAGTACGATCCTTGGGAGCTTCCAGCTAAGGCTAGCTATGGAGAGCAAGAATGGTACTTTTTTCAGTCCAAGAG  
ATCGAAAGTATCCAAACGGAGCACGACCAAATCGGGCAGCAACGTCGGGGTATTGGAAGGCAACTGGAACC  
GATAAGCCGGTCATAGCTTCGTCGGAAGGGAACCGGAAAGTTGGAGTGAAGAAGGCTTTGGTTTTCTATGGT  
GGAAAACCTCCAAAAAGAATCAAAACCAATTGCATCATGCATGAATATCGCCTCGCCGATAACAAATCCGGTG  
GTGGAAACAATAATAAGCCACCAGGATTCATTATCGGCGGTAAGAAAACTACTGAGGCTCGATGACTGGG  
TTTTGTGTGCAATTTATAAAAAGAACAACCTGAACAAACCGGGGACGGATCATGAACGAGAAGATTGCTTTGA  
TTCTATGGTTGGGTCAATACCGTCATCGATACAAATCAATACTACAATCAATCAATGACGACGACCACAACG  
GCAACGAACTTTAGTATGTATTCTGAATTAGCCTCTTTGTCGCTTCCAATGAAACGGTTGCTGCAACCCCCATC  
GTGGGAGGAGGAAGAGTATCGGTTGGCGGACAACCGATCCTCAAGAAAAAAATTACCAGTTATGAACGG

>trans\_c\_3350 NM\_106331|Arabidopsis thaliana eukaryotic translation initiation factor 2 family  
protein / eIF-2 family protein (AT1G76810) mRNA, complete cds

AGAGAGCTTCCTTCATTTCTCTCTTTCTCTGTTTCTCACTCTCACATAGACCGCAGCTGCATCTCACCGGCGTT  
TATTCTTCTGCCACCGCTGCTTGCCGGCAACGTCTCCACCGTCACTTTTCTTTCTTTCTCTGCTTCAACTCCAC  
GGCGCCACTCCCACCCCACTCCATCTCCATCTCTTAGTCGTTGGCCGCCGTGCTTGAATTCTGTTTCTTTTTGG  
ATTAACCGATCTTCAATTAGGGCGAATTTAGAATTAGGTCAATCTTTAATTTGAATTCCTGCCCAATCGGGATT  
ACGTTAGACGGATTTTTTTTTGGGGATTGAACTGGATTACCAATCGGACTGAGTTTCAATCGCTAGCTTTGTTA  
TATAAGATTTTGCCTAGCCCCGACGAACCTTTCCAGATTTCCAATCCCAAGCGCTAGCTTCGTAAACGTCTC  
TCTATCTTCACTAGCTCACTTATATTATATCTCTCTGGATACGCTTCATCTCTTCTAAGGATTCTTGGGGCGCTAT  
TGTTGGTGGTTTAAGGGTTTCAATTTGCCGATATTTCTATGGGTGCAAAAAAGCCTACCGCAAGGGATGATGA  
CAGCGCCCCTGCGGCAGCCCATGGTGGTGGGAAGTCGAAGAAGAAGACATTTGCAGTAGACGACGATGAGT  
ACTCCATTGGAACCGAGTTGTCTGAAGAAGCGCAAATTCAGGAGGAGAAGGTTGTGATAACTGGGAAGAAA  
AAGGAGAAAGAAGGAGAAGATGATGGTGGCAAAGAAGAGAAGAAGAAGACAGAAGAGAAGGAGAAG  
AAGAAAAAGGAGAAAGGAGAAGAGATGATAGCAAAAAAAGAAAAAAGAAAAA

>trans\_c\_3351 NM\_147894|Arabidopsis thaliana PNT1 (PEANUT 1); alpha-1,4-  
mannosyltransferase/ mannosyltransferase/ transferase, transferring glycosyl groups (PNT1) mRNA,  
complete cds

GATTACGACAGCCATGGCGTCCTTTAGCTTCGGCTCTTTGCTGATTCTCTCAGCCATCTTCAGGTTTGTACTCA  
TACTCTACGGCGAGTGGCAGGATGCGAACATGGAGGTCAGATACACTGATGTCGATTACATCGTATTCTCAGA  
CGCTGCTTCTCTAATGGCGTCCGGAAAGTCCCCCTACATGAGATCCACTTACAGATATTCACCATTGCTCGCGT  
TTTTGCTCATACCGAACACTATCTTCATCGCTGTTGGGGAAAAATTTCTATTCTCAGCATCAGATTTGCTCGTCG  
GGTACTTTATACGTACTATTTTGAAGAAACGTGGGGTTCCAGAAAATTTGTGCATCGGTTCTGTTATGGTTTGG  
CTTTTAAATCCGTTTACGTTTACCATTGGCACCAGAGGAACTGCGAGCCTCTTGTGTTGTGCAATGGTTCTTAA  
GATTCTTTTGTGTCTGATGAACGGTGCCAGTTGCTACAAGCTGCATTTTGGTATGGACTTGTGCTCCATTTAG

AATCTACCCGATCATTTATGCCCTTCCTATTCTTCTGATTCTGAACCAGAATGTATTCAAATCTGGTCTGAATCCC  
GCTCTACAAAATTGGAGCAAGGGTGATGAAAAGGCTCCTCAGAGCAATTTACCGTCGAGGTTGGCTCATATCT  
TTAATCCATTGTTTCCATTAAAGATCCATAATGACTAAGGAGAGAATCATTTTTGGCCTAATTTCTGGTTCGATTT  
TCATCTTCTGCACTGTACTGTTTTATTATCTATATGGTTGGGAATTCCTGCATGAGGCGCTACTCTATCATCTTA  
CACGTA CTGACCCAAGACACAATTTCTCAATATATTTCTATCACATCTATC

>trans\_c\_3352 Novel Gene

AACGGAAAATTCTCCATCTCCCGAAGGTAATCTCATTTCGTTCCCTCCATCTCCCTTCTTCTACGGATTCTGAATC  
TATATAATAATCCTTCTTTTGGATTCTCACGATTCTGCTTTCATTCTTCTTCTTACTCCCTCCCGGTATCATCA  
GCTATTTAAGCACCTATTAGATCTGCGTTTCGGTACTCTTCGCATCTCTCCCTATAAGATTACCAATTTCTTTGAA  
TCAGCTGAGTATGTTTCTTTGAGGCAGACGCTAGTTTTATACAAGTTTCAGTTGTTGGTTGTACATCAGTCGT  
TCAAATACTGGAACGTCTTCTACCAATTCATTCCATTTCTTATCAAGTGATTTTGGTTGGTTATATGTGGAATA  
TGTTTGCCTAGATTGGGGTTTATGCTTCTTTTATTTTCTTCTTTTAAATTTATTATCAATTTTGTCTTCTTTGTCCA  
TCTTATGGGATGACTTGACAAGTTTTTGCCTGGATATCAGATCGTGTTTAGTTGTTCTTGGACTTAATAATATTA  
TGCCGAGAAGTTCTCTGCTGGAGTTTGATATAGGGTTCATTGTGTTGGATTTTCCCTGATCCAATCTTGACACG  
TGGATCGTCTGAACTTTTATGGTTAAAGTTTGAACACGAGAGCTTCTAATATGTTAGGATGGGCATGCAGGAT  
TTAAGATTTGGATGCTGGTATTATGATATTTTCGCAATGGAACCATGCTGCATCACTAATTTTTTTACTTTTCTCT  
TGCAGATTAATTGGTTACTACGACAGTCTGTCGTCTGCTATTTTGCATATTGCATCTTTTTGAAGAATACTAAAG  
TGTTAGTATCCATAGGCTGCAGAATTCGAAAGTACTTCTC

>trans\_c\_3353 EF469601|Taihangia rupestris MADS-domain protein (MADS3) mRNA, complete cds

AGGGGGAGAAAGAGGAATTAGGGTTGACTCTCCAAACACACATACGAGAGAAAAATGGGACGCAAGAAGAT  
CGAGGTCAAGCTAATCGAAGATAGGTGTAATCGCCATGTCACCTTCTGCAAGAGAAGATCTGGATTGTTGAAG  
AAGGCCAGAGAGCTCTCTGTTCTTTGCGACGTTGAGGTTGGAATCATCCTCTTCACCAATCGCGGCCGACTTTA  
TGAGTTTTGCAGCGGAAACAGCTTACTGAATATTATTATGCGCTACCAAAGCCACCTTCAGGGGAGAAATGAA  
AGTCCAATTGACAATGACCTTCAAGGAAGAAGTGAAAGCCTAATTGATAGTGATGCAAAGGATCATGTATCTG  
ATGAGACAATCTTGGATGTATCTGATGAGACAATCTTGGTTTCACTCAAAAAGCAACTACAACTATTCAAAGT  
CAGGTTGAAGAACCAAATTTCAAGAAGCTCGATATAACTCAGATGGTGCAATTGGAGAATCAACTGAAGGC  
ACACTTGACAAAATCAAATCTCAAAGAATTGAGGCAATGATAGAAAATGATGACTGTTGGACATACGACATG  
GAAATAGCTATGGGCATGATCAACAGCCCCGCCATTTAATTAGTGAAATATGCCACAACTATGGTTGTGGTTG  
TCCCACCAAATAAAATAAACCGAAGCTGCATAACTCTATGAAATCTTAACACCTTCTGACCTGCAGAAGCAAA  
TATGCATAATATGTAACATATGAGTACGACAGTTGTAGCATTTCTCAAGTTGTATGCTAAATGAAACCATGCAT  
CAAACACTTAATCGATGCTTCTACTAAGCCTTATTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3354 NM\_125920|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L29 family protein (AT5G65220)  
mRNA, complete cds

GTAAATAGGGGTAAGAGGGGTAATAGGGGATCTCGAAAAGTAACAATAGAAGTGCTGGGAGCTTATCTCATT  
CTTTAGTAGCAGAGCGCTCTTACAACTTTGAAGATGATAAACCTTTTCAGTTGCTTCTTTACCTTCGGCCCTTCC  
AATCCCTTCAAATTTCTTAATTCGACTTCAAATCCTTCTTCAATGGCCTTCAAATCCGTTTCCCATTTTCGTTTT  
GCGTTCCTCTAAAACTGCAACTACTGGAGGAGGCCGCAATTCATCGGTGGTAATGATGGCCAAGAGGGAGG  
AGGAATTGAAGGATATAAGGGCCAAACTACTGAGGAAATAAACGAAGAGGTCGTCGATCTTAAGGGTGAA  
CTTCTTATGCTTCGTCTTCAAATCAGCCCGCAATGAGTTTAAGTCTAGCGAATCCGCCGCATGCGCAAACG  
GATTTCTCGGATGCTAACAGTAAACGTGAGAGAGAGATTGAAGAGGGTGTGGGCAAAAGGATGTCAAGAA  
AGTTAGATAGAAAGTGGAAGAAAAGTATTGTTGTCAGACCACCTCCATCTCTGAAGAAGTTGCGAGAGGAAG

AAGCAGCAGCTGAAGAAGCTGAGAAATCTGCTTGAACGAATCAGATACATGCTCGCATTCAATCTTTATGAGT  
TTGAAGTTGTTGAGATTTGAGAACGCTGTTTAAGCAACACTTTAGAAAAAAAAAAATTCCAACCTTTAAACATT  
TGATTCTTGTACTTAGCTTATGCACAAATGGAAATAGATTCGAGTGGATCATGTTGAATTTATATGCTTTCAC  
CCTTAATTTAAATTAGATAAAAGGTATGTTTGGGAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3355 EF584900|Glycine max OAS-TL4 cysteine synthase (OAS-TL4) mRNA, complete cds

ACTGTGAGCTCGAAGGGCCATTTCCGAGTGTTGGATAAACAAACACTAGAGAGAGCTTGAGGACAATCCTTTC  
TTCCACCATTAAATGGCTTCCACTTCTTTCATCAATTCCTTGGTTTCCCCTCTCTCTCCTCCGTCTCCAATTCCAAA  
CCATCTCTCTTCCCTTCAATTCTTCGCCCAATTCTCTAAGAATCCTTCCATCTCTTCACCCGAGTAAGAGCAATT  
TGCATGGCACACTCTCTGTTACTTGCAAGGCGGTTTCAGTTAAGCCTCAAACCTGAGATTGAAGATCTTAACATC  
GCTTCAGATGTAACCTCAGCTGGTAGGTAAGACTCCCATGGTCTACCTGAACAATATCGTCAAGGGGTGTGTTG  
CAAATGTTGCTGCTAACTTGAAATGATGGAACCATGTTGTAGTGTCAAGGACAGGATTGGATATAGTATGAT  
TACTGATGCTGAGCAGAAAGGGCTTATTTACCAGGAAAAGAGTGTTTTGGTTGAACCTACCAGTGGAACACA  
GGAATTGGTCTTGCAATTTATTGCTGCTTCAAAGGGATACAAATTAATTTGGCAATGCCAGCTTCGATGAGTTT  
GGAGAGGAGAGTTCTTTTAAAAGCATTTGGAGCCAAAGTTGTATTAACAAATCCAGCAAAAGGCATGAAGGG  
AGCAGTTGAGAAAGCTGAAGAGATCCTAAAAACACACCTAATGCTTATATGCTTCATCAATTTGACAATCCT  
GCTAACCTAAGGTACACTATGAGACAACCGGTCCAGAGATATGGGAAGATACTAAAGGCAAGTTGGATATT  
TTAGTTGCAGGAAATGGAACAGGTGGCACAATTTCTGTGTGGGGCCGGGTCTGTGGGGA

>trans\_c\_3356 XM\_002875438|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family  
protein, mRNA

ATCGAACAACTATCACAAAATTCATTCACAACTCACAAACAGTCACCAACAAAATGAATTTTGGTCTCTACAACG  
TTTCCATGGACGACAAATCAACCCACAAAACCCCTCTTCCGATTCTCATAATCATCGACTTCTCCGTTTTC  
AAACCTTGCTCTTGGCTCTGTTCTTCGCCTCCACAAAGCTAAACAGAGTACTCTCCGGCGTCTCTCAAATC  
GGTGGAATCCAGCGCCGGGGAGCGGGAGCGGCTGGTGAGTACAGAGGAGATGAAATGGGTTATGGGGAAT  
TTAGGGATGGATTGTAGCGAAGGGTCCTCTGTTCTTTGTTTGGTTTTCAGCGGAAGAAGTGCGGAGATGTTT  
GATCAAACGGCAGCTAGTGCGGCGGAGGTGAAACAAGCTTTTGATGTGTTTGATGTTAATGGCGATGGGTTT  
ATCGACGTTGAAGAATTGCAGAGAGTGATGTGTGTTTTGGGATTCAAAGAAGGAGAAGGGATTGAGAATTGC  
GAGAAGATGATTAGTAAGTTTGATTATAACAAAGATGGGAGAATTGATTTTGAAGAATTTGTTAAATTGATGG  
AGGCTGTGGTTTGATTGTAATTGAAAAGATTGAATTTTTTTATTTATTGAATTGATGTTTGTGTGGTTCGAA  
AATGAAGCCTTTTGCCCTTTTGTGGTGTGTTCTTTGGGGTTTTTTTTTGGGTAAATGGAATTGAACTTTGGCCC  
ATTATATTTTCATGACCATGTAATTTTCATATCTATATTACAATGTTTCACATATATTTATATCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3357 NM\_001036369|Arabidopsis thaliana RPT2 (ROOT PHOTOTROPISM 2); protein  
binding (RPT2) mRNA, complete cds

TATATATCTCAAGGCACACCCAAATCTTGATGAGATAGAACGGGAGAAGGTATGTAGTGTGATGGACCCATTA  
AAACTATCGTACGAAGCTCGAGTACATGCTTCACAAAACAAGCGGTTGCCCGTCCAAATAGTTCTTCATGCTCT  
CTACTACGATCAACTGAAGCTAAGAAGCGGCACCCCGATGACCGAAAGAGCACCCAAGAGGACGCTGCTTC  
CATGGCAAGGACTCAAGCTCAGGCAGACGTGTCTTTAGTGAAAGAGAATGAGGCATTGAGGCCAGAATTGAT  
GAAGATGAAGCTCTACATATCTGATATGCAAAGGAGTTCTCAAGGAACATCTTCATTAAGTACCAACCTCTA  
GATCCAAGGGCACCTTCTCTCCTCCGTCTCTAAAACGCTTGGGAACTAAATCCCTTCCGTACGGATCAAAA  
GACACTTCTAACATCGATGATGGCATCGACATTACCAACCCAGGAGGAGAAGATTCTCTATATCTTAAATAA  
AAACTTGTGTGCATTTTGGGTTGTTCTTGAAACATAAATTCGTTGTGTTTATTTGTGAGATTGATATTCTTCTTC

CATTTTGCTCTCTGTTTCGTTTTGTATAAAGTTGGTTTCTTTTACTCCTTTTAAAGTTGGTGTTCATGTTTTGTTG  
AATTTGTGTTGTGAACCTACACATTTTATAGTAATTAAGCATACATAATTCCTATGTTTCTTTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3358 NM\_101570|Arabidopsis thaliana SOUL heme-binding family protein (AT1G17100)  
mRNA, complete cds

ATCCTCACTCACACTCACTGTGTGGCTCATCCTTTTTAAGTTTTATTATCCTTCTCTCTCTTCGACGAGTGGAATT  
TCTCGATGGAAATGGGGAGACTATGGGTGTGAGCTTGGTGATGGTGATCTTGACGCCGGCGTACTCGGAGT  
TTCCTCCGACATGCAAGCGCATAGAGTGTCTAGCTACGACGTCATCGAAACCGCGCATGGGTTCGAGATTCCG  
GCGCTACAATTCACCTGTTTGGGCGTCCACTGCTCCCATTCCTCGATATCTCTCTCCATGAAGCCACCAGAGCAG  
GCTTTCTCCAATTGTTTGATTACATTCAAGGAAAGAACAAGTACAACGAAAAGATAGAAATGACGGGACCGGT  
GATCACAGAGGTTTCTCCGAGCGATGGACCTTTCTGTGAATCGTCATTTGTTGTCAGCTTCTACGTTCCGAAAA  
TCAACCAAGCAGATCCACCACCAGCCAAAGGGCTTCATATACAGAGATGGAACCAACATATGTAGCAGTTAG  
ACAATTTGGAGGATTTGTTACTGATGCAAACATTGGAAGTGAAGCTGCTGCTTTGGATGAAAGTATTTTTGAT  
ACAAAGTGGGGTGCAGCAATCAGCAAGAGCCGTGGTGCTGCCGGTCTTCCCTTTATACTGTGGCTCAGTACA  
ATTCTCCTTTTGAGTTTGAAGGTCGAGTAAATGAGATTTGGTCTTGTGTTGATATTGAAGATGTAGCTGCTCAG  
GCTTAGAATAGAATTCAGTGTTTTATGCTAAATTAACAAAGACTCATTCTCTTCTTGTGTTTATGATCAATCC  
TTCAATAAATATATGTTTACTTTTCTCTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3359 Novel Gene

ATGGTTAACCAGACTTTAAGCTGACTGTTATAAGTGTGCTATCAAGCGTGGCGGAGATCGAGTGAGAATCCTT  
AACCTTAGCTGTTAGTGTTCTATACAATTGGTCTATTTCTCTGAAAATGTATTTTGTTTCGTTCAAACATAAG  
ATCGATGGATTTGTTACAAGCATGTTGGCTATAGTCTTCTAACTTAACATGTTTGGCATCCATGATGCGGTTTG  
TAGAATTATGGTCAGTGCATCAGTTTTGAAATTTGCCATGGTTGTCTGCGTTAACTACGTTGGTTTTGTCAACA  
GTTTTAGTGTTGTGCAGTATTCAAGTGTGTTTTTTCTACGCGTAAATGTGAGAACATAAGTTAAAGTCATTAC  
ATTGTGATGGATGTCACGGATTGAAAAGTGGATTTGGACTCTCCGGAACCCCATAGTTTTGGCTTTACAGATC  
TGTCTCTGGTGTCTAAATTGCTTGCTATGGTAAATCGATCTTTGTTTGTGTTTCTTAGAGCTAGTGAATATATCCA  
GCAAAATCCTGCCTATATCTAATTTTGAGTGTTGAAGGGGTTTCTTGCTGTTTCTTTTTATTCAATCTGACAA  
GTTATTATTGCTGTAAGTTCTCTATTATATATTTTCACTTTCCAAGTTCTAACGCGCTTCATTCGCCCTAAAGTC  
CAACATGAAGGCGGCGTTTGGTCTTGGTCTTGGTGAATAATCCGTAGAACCAATCTCAAACCATTTGTCCGG  
CTTAAAAAATGCACTCATTACAATGGAGGAGGTTTTCTGAACGCTGGTTTTTATGGTATCTTATATGGTTCTC  
ATTACTATACATCCAAATTAGATCAGTATATTTGATGTACTTAATAAGTTCCT

>trans\_c\_3360 D12522|Arabidopsis thaliana APK1 mRNA for tyrosine-serine-threonine kinase,  
complete cds

ATGGTGACCAATCATGTGGGTTGCTGATCCAATAATCTTTTTGGTCAATCAGCATGTAAGCTTTGAAGGTGG  
GAGAGACCTGTTCACTTACTTCTGATGGGCATCTGCTTAAGTGCAAAACCTATATGTGAAAGTGATGATAATA  
CAGGGGTGAAGTATTCAAAAGATGATAGTGATAGCAATAATGGAAAGGATAATGGTAGTGCAAGTAGCAAA  
TTCTCATTGGCTTCGGTGCTCCAGCCCCTCGGAGCGAGGGTGAAATCTCTCAGTCCTCCAATTTGAAGAGCTT  
CGCTTATGAAGAGCTAAAAGAGGCAACACGAACTTTTGTCTGATAGTGTTCTGGGAGAACCTGGTTCTGGT  
TCAGTTTTCAAGGGCTGGATTGATGAGCATTCTTTACTGCTACCAACGGAGGAACTGGGATGAGTATTGCTG  
TCAAAAGGCTTAACCAAGATAGTTTTCAAGATCACGGAGAGTGGTTTGTGAGTCATCTCTTGAGACTAACTG  
CAGAGATGTCTCATTATCATACCTGATTTCTTTGTCTTTCTTCTCATATTGACCTCCCTTAGCATCAGATGGCT



GTGTAATAAGTGACTTATTTGTTAAACAAATTTGTCATTCTATGCTGCACAGATACTCATGTTTCTTTATC  
AATTAGGCTGAAGTGAATTTCTGGGCCAACTTGTTCACTCTCACCTGTGAAATTGATTGGCTATTGCATGGA  
CGATGAGCAACGGCTGCTCGTGTCTGAATTCATGCCTCGAGGAAATTTAGAAAATCATCTGTTCTTTTCGGGG  
TTCTAATTTCAACCTCTTTCTTGGGGCCTCCGTTTGAAGGTTGCACTTGGTGCTGCAAAAAG

>trans\_c\_3361 Novel Gene

AATTGGGTTTACATAACAACTAATTCCACAAAATTTCTTCAATTTTCTTCCCCTTTCCCTCGATTGTCTTCCTC  
ATTTTCCACTGCTCTTCTTATTTCTTCTTCAATCTCTTCATCTCCTTCTTCTTCAACACCTTCTACTCTCCCTTCCCTT  
CCCCCAACTTCTTAAGGTGCTTGGAAACAAATGGCCTTGTTACCACCGCAGAAGTTTGTGATGCTAATCCACA  
ACTCATTGTAAGTGGTGAACCTCGGGCCCTTGAACCAATTTTTCAGATATATGGTCGGCGCCAAGTATTTTCAG  
GACCAGTAGTCACACTGAAGGTGTTTGAAGACAATGTGTTGATTCTGAGTTTCTCGAGGAGAAGGGTAACG  
GCAGAGTTCTTGTGGTGGATGGGGGCGGTAGCAAAAAGGTGTGCAATATTGGGTGGCAATCCTGTTGTTCAAG  
CTCAAAACAATGGTTGGGCTGGTATAGTTGTGAATGGATGTGTTAGAGATGTGGATGAAATAAATGGTTGCG  
ATATTGGGGTAAGGGCACTTGCCTCACATCCAATGAAAGCCTACAAAAGCGGGTCGGAGAGAAGCACGTG  
CCGATAACTGTAGCTGGGACAAGGATCATGGATGGGGAATGGCTGTATGCAGATACTGATGGAATTCTAGTT  
TCACGAACCGAGTTGTGCGTTTAAAGAAGTGTGATTAATTTCTTTCAAAGATTCTGATGGCAGGATAATAT  
TGTTATACGAGGGCAAGAGCTTGTGAGTAATGGTGTGATGTCTTACTTGTGGACCCTAGAATTCAAGTTCTTG  
TTATATTTATCAATAAAGTTGTGTTATGCTTTGAGCTAATTGATGGCTGTGTTCTGTT

>trans\_c\_3362 XM\_002864864|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C/VIF2, mRNA

ACCATTTAAACAACCAAAAAAGAAAAAGAAAAAAAAAACCATCTCCTTCATCTCTCTCTCTCCAAAAAGAAGCC  
ATCTTTGAGGGAAATCTCAAATGGGTATGAAGAATTTCTCCATTTCTCTCATTTTCTTTGCAATCCCATTAATCTT  
TTTCCACAAAAATGGAGTTTCATTAGCATCAGCAGACCAACCCTAATCCAAAAACATGCACAAACACTCTTT  
ACTACAACTTTGCATGTCATCCCTTAAATCCGACCCTTCCAGCCTCACTGCCGACACCAAAGGCCTCGCCATC  
ATCATGGCTTCTATCGGTGCCGCTAACGCCACCGCCACCTCCACCTACCTCTCATCTCAGCTCCCTACATCCTCC  
TCCGCTGCCACCAACGCCAACAACAACAAAACAAAACACTGTTGAGACAATGCTCCGAAAAGTACGCATTGCGAG  
CTGAAGCACTTAGAGAATCTTTGAAAGATTGGCCGATGAGACTTATGACTATGCTTATATGCATGTTTCTGCG  
GCGGCGGATTATGCCAATGTTTGCCGTGATGCCTTTAAAGGGTCCCAGCGGTGAGTTATCCGGCGAAGCTTG  
GCCGGAGAGAAGAAGGGTTGAAGCGTATTTGCAGAGTGGTTTTGGGGATTTTGATCTTCTTGGCTGGTGAT  
TTTCATCAATCATTATGTTCTCTCTAATCATATTTTGTCTTTCTTTTACTTTAACTTTTGCTTTTACTTTT  
TTTTGGGGTAATAAACTTGTTTGTCTTTTAGGTGAAACGTTGATGATGTGTTTTCTTTAAGGGATTTAGTTTA  
ATGACTCTTTATTTGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3363 X62124|S.tuberosum cycl gene encoding cytochrome c1

ACCCTTCTCAGCATACTCCTGTTTGCTTGCCTGATAATCCCATGGGATCACTTTGTAGAACTCGTAACTGAAA  
TGGCTGGGGGAGGAATGATCCGGCAATTGCTGAGAAAATTTTCATCTCAATCTTCAACCCCTCCATTGAACTCA  
TCACTGATTTCAAAGAATCAGGAAGCTGGCTTTGCTGGGATGAACTCTTTAGAAGGCTGGCTCTCCTTGGGG  
CAGGCGTTACAGGGTTTTTTAGTTTTGCAACTTTGGCATCTGCTGATGAGGCAGAGCATGGTTTGGAGTGCC  
AACTACCTTGGCCTCACCAGGGCATTTTGAAGTTCATACGATCATGCTTCGATTCGTCGTGGTCATCAGGTTT  
ATCAACAAGTTTGTGCATCCTGTCAATCCATGTCTTTAATATCATACCGTGACTTGGTTGGTGTTCATATACCG  
AAGAGGAGACAAAAGCAATGGCTGCTGAAATTGAGGTGCTTGATGGACCAACGATGAGGGTGAGATGTTC  
ACTCGTCCAGGTAACTCAGTGACCGGTTTCTCAACCATATGCAATGAACAAGCTGCTAGATTGCCAACG  
GTGGAGCATACCCTCCTGATCTGAGCCTTATCACAAAAGCTCGTCATAATGGTCAGAATTATGTATTTGCCCTT  
CTTACTGGTTATCGTGATCCACCTGCTGGTGTTCGATCCGTGAGGGTCTGCACTATAACCCTTATTTCCCTGG

GGGAGCAATTGCGATGCCTAAGATGCTTAATGATGGAGCTGTTGAGTATGAAGATGGTACCCCTGCCACAGA  
AGCACAGATGGGTAAAGATATTGTATCATTCTTGTCTATGGGCCGCGGAACCAGAAATGGCC

>trans\_c\_3364 EU597268|Gossypium hirsutum chloroplast Cu/Zn superoxide dismutase (CSD2a)  
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ACACGCATATCTACTGGAAGCCTCCATTTCCAATCTCCCATTATCCCATTATCATCGGCAGTTCCCCATAGCTAA  
TGCAAGCAGTTCTTGCAGCTATGGCCGCACAATCCCTTCTCTGTTTCCCTTTCCAACTACATCGCATTGCCCC  
CATTCTCCAATTCTTCTTCTTCTTCTCTCACCTCTTCTTCCATGGCGCCCCTCTCAAACCTCCCTCGCCACTCC  
CTCTCCCTCGCCGCCTCCGTTGCCCCCAAACCCCTTGCCGTCGTTGCCGCCTCCAAGAAAGCTGTCTGCTGTCTCT  
AAGGGAACCTCCGACGTTGAAGGCGTTGTACGCTCACCCAAGAAGACGATGGTCCAACATCAGTCAATGTG  
CGTATTACCGGGCTCACCCCAGGTCCTCATGGATTCCATCTTCATGAATTTGGAGACACAACAAATGGATGCAT  
TTCTACAGGAGCACATTTCAATCCTAACAAGTTAACGCATGATGCTCCTGAGGACGAAATCCGACATGCGGGT  
GACCTGGGAAACACAATTGCCAATGCTGATGGAGTAGCAGAGGCAACCATTGTAGATAACCAGATTCTCTTA  
GCGGCCCAATTCTGTAGTTGGAAGAGCCTTTGTGGTACATGAGCTTGCGGATGATCTAGGAAAAGGAGGTC  
ATGAACTCAGTTTAACCACTGGCAATGCGGGTGGAAGATTGGCATGTGGTGTGTCGGTCTGACTCCTGTGTG  
ATGGTGACAAACGAAGTGTGTAGCCTATGAGGTCGGTACAAGGTATATGGAGGCACTATTATATTGTCAACG  
ACTTCTCCACAGTCTCGAGGTTCTTTCTTTTGTTCAGCACATAAAATGTAGTCTTGG

>trans\_c\_3365 NM\_112949|Arabidopsis thaliana plastocyanin-like domain-containing protein  
(AT3G20570) mRNA, complete cds

GGCACCGAAAAGGGTACTCAGCCTCCTGTTAGTTCTTGGTGATATTTACATTTTGGGATTTTGGGAAGAAATTT  
AATATACTTTCCATTTTAAAATTGTAATGGCTAAATTAGGGTTTGCATTTGGGGCTGTGGTTTGTGTGATGATG  
TTTTTGCAAAAAGGTGAGGGCACTCAATTCATAGTTGGAGGAGCAAAGGGATGGAGTGTTTCAATGGCACAA  
ACTTATAATCAATGGGCAGAAGCAAATAGGTTTCAAATTGGAGACTCTTTAGTATTCAACTATGATGCTGGCC  
AAGACTCGGTGCTTCAAGTAACCCAAGATGACTACACCAATTGCAACATTCAATCTCCGATTAAACAATATTCT  
GGTGGCCATTCCGTTTTCCAGTTTGACAAATCTGGGCCTCACTATTTTCATCAGTGGAACAAAAAAATTTGCCT  
AAAAAATGAGAAGCTTGTGGTGATTGTGTTGGCTGATAGAAGCAATTCAATTTCTAATCAACCACCACTCCTC  
CAATCTCTGCTCCATCTCCATCTCCCTCAAATTCTACGGAGCCAACACCTTCTCCTGCACCGGCAAATGCTCAAA  
AGGGTGCGTCTTCTCCCCCTCCATCGGGGTCAACTGAAATTAACCCATCTACACCACCTGCTGAGGAACTCAAT  
CCATCTCTCCAATACTGGGGGAGAGTCTCCGTCTCCATCTGCAGGGACTGTTGAGATTAACCTGACCTCC  
TGTATCAGGGCCACCACCAAGTGTGGATATTCGATCATCCCGGGTAGCATTGGCTCCTTTGGAGCGTTTGT  
GCTGCTGTTTTCTTATCTTTCTAAGTACAGAGATGTATTCTTTTAAATCTTGTAAT

>trans\_c\_3366 Novel Gene

AGTCAATTCTCTTGTTCATATTCCGAAACCAAGAAGAACAACCTTCAGAATCTATCATTTCTTCTCATAATCA  
ATGGCATCAATTGGTGCTCGGTCTGCTTTCCGGTCATTCTCCGGTTCGGCACGCCGTGCTGCTGCTCACATCGG  
TTCTCAACCAAGCCCTCATCAACCTCTCCCTTTCGCATGGCAACTAACAAACCCCTCTCTCATCCTACTTTCAGG  
CGTGCGCTGTGATGAGCTTCTGTTTGGAGTCAATGATGCCATTTCACTCTGTGTCGTCCTCAGCTTTGATGAC  
TTCAATGCTCTCTATCTCGCGCCAGAGCTGCGGTTGGCTCCCCGAAGCATGGAATGATGATAAATGACAAGAG  
GATCTATACGGATGGTGACTTCTATCAAGTAGAAGCTTCCATGCTCCAAATGGTGGTTTGTGAAGAAGAGCTT  
CCGATCAATGGCAATGGATTATTGTTATTTGAACTTGTCTTTACAATGTTGAGTTTTGCTGTCTAACTGCCTC  
TTGTTTTGTTTTCTAGGGCGGTGATATTTAATCAGCATGTGTAGCATAAAGGTTTGAACCTGTTGATTTTGCCAT  
TTTCATTGCTTATTTGTACCTCAAATTCAGATTCTTCATTAGAAGTATCCTAGTTTCGCCTAGATTATCTGAAACC  
GTGATTTATGGCTTTCAATTGGATTATTGGTATAATTGACTTTCAATTGGGTATTGGTAGGATGACCAAAATC

AGAATCTAGATGTGAGAACGGTTTGTGATTTGCCAAGTTTAAAGCATGGGAACAAATATTGTTTGTGGTTTT  
CGCTCAACCTTGTCTAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3367 CT028217|Poplar cDNA sequences

CGAAGCAAATGATTCAACTAAGTTGGCAAGGTATTTGATGCCGCAAGGTTCTACATCTAAAGGATTA AAAAGA  
ACGTCAAAATATGAAACGAAGGAAAAATCTACAAACGATGGCAAGCCCTTGGCTGTCAAGTCTGGAAAGCAG  
CCAAGTGTATCAGATCATGCAGTTATTACAAGGGATTCTGAAAGCCAGAATGTGAGTACTGAGGGGAAGAAC  
GACCAAATGGACGTTCTTCTTTGTGCAGTACTGAAGAAGCGCCAGAGGGCTCACTTTTATTTCTCCAGCACA  
CGCTCCCAAGAAAGCATCTCATTTACACGAAGCCGGAACGAGCAAATAAAGGAAGACTTGCTCCTGCAGTA  
GGGAAATTGGCAAAAATTGAGGAAGAAAAGGTTTTCAATGGGAATACTACCAAACCAAATTTCAATGTTATTG  
AGCCACGTAGATCCAACCGCCGTATTCAGCCAACCTCAAGATTATTAGAGGGACTTCAAAGCTCACTGGCAAT  
TTCAAAGATTCTTCTATTTACACGATAAAGGCCAACGAAGCCAGAACAGGAATGCATCTAGAGGATGTATA  
TTGAAAACCTCTCCTTGTAGGTTGGTCTTGGAATTCAAAAGAGAATCGAAGCATCTACTCCGCTTCGTTCCCTT  
TCGGAGTTAACTCTGACTTTGGTGCATTTAAATTGTTACTGTTTACCCTCATTGCCACTGCTGAGTATACTTGAA  
GAATGTGGTCAGAAGGCTCAGGTTACTTCCCAAATTTGTTTTATTCAACAATTTGGAACGTAGAGCAATGTT  
CTTATGTTATGGACACCTTACAAGTAAAGTTTTGCATAAATTGCTATGACAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3368 AJ972477|Medicago truncatula ZFP gene for C3HC4 zinc finger containing protein

AACCACGCGGGCGGATTGCCTAACGAAAAGTTCGCCATTACGCTACCAATTTCCCAATTTCTGCCGTTCTCTT  
CCATTTTGGCCTCCCTTATCACTCCCCATAACTGCCGCAGCGGGCGTTTATTCAGCGGTGCCGGTCGTCGTCTC  
CACCGCATTCAAGGAGGGAACATTTTACCGTACAGAAACACGGAATTCCTCATGTCCACATCGGAGCAA  
GCCCTTGTTACTTTACTCTCTCGTTTTGCTTTATCGTTTGATGGAGCGGTTTTAGGCGCTGCCCTAGCTTATGCT  
ACCGTTCGTACCGTCTTAACTGACTGCTTCTGCTCCGCTCTCAATGAGCTCCGTAAAGCTCCTTATGTTACT  
GTTTCTGATCTTCGTCATATCGTTTCCGACGGAAATTCGGAACAATCCGAGTCTGATCGGAAGCTTGTTGTTGT  
TCGTGGCACCGTGGAGACTAGGTCGTCTGTGGAAGGTAATTGGAAGAGCTTACAGCCTAATGTATTGATTTCT  
CAGGAGTCTGGAGATAGAGCGGTGATTATTCAGCGAACTCAAGTGTGCATATTCAACGAATGGAAAGGCTTT  
TTCGGATGGACTTCTGACTTGCGTGCAATTTTGAAGAACCTTTAGAAAGCAAGAGTCAACATCATTTAGAA  
CGGTTCTTTTGTCTCGTTGATGGTCATTCAACATACTCTGATTTTGTGTTGTTAACATGGAAGGCTCAAGAC  
ATCCCTTACCTTTACAACGTGTGTATCATCACTGCAGCCCGTTTGTGCTACTCCTTATACCTTCTTCAAGCAGT  
TTTCGGTCACGAGTATCTGTTGGAGTGCTTGATGAAGAGAAAATACTTCCATT

>trans\_c\_3369 Novel Gene

ACCTCAACCAATATTTTCTTCTCAAATCCTTTCAAAAATCCCCAACTACTACTTTTCATTTCGCATTAATCATCTTTC  
TCTCCTTCTTATGGCGACCGGAAAAAGCTGTTACGGTCGTTCCAATTACCGTTTCTCACC GGCGACATCTCCG  
GCCACCACCACCACCTCCTTCACTTCCGATTTCTCCTTCGAACTCAACGAATCTGACATTTACAACCTCGGGTA  
CGGCGAGATCTCCTACGCGAATCCCGAAGAAGAAAATTTGTCGAAACGAGTGGAGGTGCAGGGGGGAGGT  
GGAGCGTCATCGTTGCCGGTGAATATTCCGGATTGGTCAAGATTTTGAAGGAGGAATATAGAGAGAAGAG  
GAGTTCGGAATACGCGGATGACATGGAAGATGATGAAGATGAAGAGGAAGAAATGAGAGTTCCACCTCATG  
AGTTTCTGGCGAGGCAAATGGCGAGGACGAGGATCGCATCGTTTTCGGTGCACGAAGGAATTGGGAGGACG  
TTGAAAGGGAGAGATCTGAGTAGGGTAAGAAATGCAATTTGGGAAAAAACTGGGTTTCGAGGATTGAAAGAT  
GATAATAATAACAACAATAATAATATATTGGATGAGATTAATTAATTTAATTAACGCAAGTAGTTTTTTTTTCCA  
TTTTAGGACGTAAATATTTGTTGTTAAAATGGGAAGGAAGGAAGGAAAGAAAGAATGATGTATGTAATTTCTT  
CCTTCCTTCCAATGTCGTTTTTTTCTTTTTTTTTCTTTTAAATCTTTCTAATTTATTGGATGGATGGATTGATA  
TTCCATTAATATAAATGAATGTAAAATATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3370 NM\_121750|Arabidopsis thaliana LUC7 N\_terminus domain-containing protein (AT5G17440) mRNA, complete cds

AGCAGCTGTATATTTGGATGAATCCACCACTGGCTCCTGCCTAGCAGGCAACTTCTTGAGTGCTTCAGCTTCCT  
CCAGGGCTTTTTGAGCCTCGTCAATCATTTCCTTGCTCACCTAGTTCTCGGCCTTTTTCAACTTCTCATTTATCAT  
CTCCTGCGTACGAGGATCAGGAGCTACAACAGGTAGAGGAGCCAAAGGTGGTGGGTTTGGCAGAGGTTGAG  
GCAAAGATGCCCTATCTTTGTTGAAAGCATCTAAAAGAAGCATGGACTGTTTGTGAGCTCGTCTGGTCCTCAAT  
TCTTCTACAACCTCCAAAACCCGAATTTTAAGATCAGTTTTGCCCTCAAGATCATATTGGTCGGCTTCTTTCAAT  
TTCTCTTTAATTTCTTTTGACAACCCGAGTACCTCGGGTATCTGGGTTACTTCAGAGACAGAAAATTGCAATAGCT  
GCCTTTGCATCTTCCTCTCAAGTCGCTTAGACTCTAGCAATTTTTCTATCACATTCAATAATGAGACGATCTAT  
AACATCCTCCAAGTCTCGGTCATAGTTATGAATCCCTTTAGCCTTTCTTCTTCATATTCTTTCTGAGTTGCAAG  
GAATGGATCTTCGGACATGGACCCATATCCATTTTCGTGAGTTGGAAGAGCTCATGGGGACAAAGCCCACTA  
AGAACATGCGGCACACATCGCGGTCGTAGTACTTGGGACTAATTCCTGGACGTACCATTTTCGATTTCGCACCC  
ATTAGCTGGTCCAGTTGCCTTCTAAAAGCATCCATGGCTGACTCTCCGGAGGTGTCTCTCTATCTCTGTCTAGG  
AAACCTTCTACCGAAGGGTGTCTGTCTCTACTCTCTAAAGCGAAGCTAT

>trans\_c\_3371 NM\_102692|Arabidopsis thaliana AWPM-19-like membrane family protein (AT1G29520) mRNA, complete cds

GCACATTACATTTCTCCCCTAAATCTCAAACCTTTTTGATCTTTGAATGATTCTTGAGAAAACCTCCTGATCCTTCTT  
TTTTCTCTTCAAAAACCAGCCTTTTGTCTGAAAACCTCACTGCACAAATGGCTAGTACACAAATGAAATCCA  
TTGCCACTTTGCTTCTTTTGTCTCAACTTTTGTATGTATGTAATTATTTGGGCATTGGTGGCTGGGCCATGAACA  
AAGCAATTGATCATGGCTTCATCATTGGTCCTGGATTACGACTACCAGCGCATTTTTCGCCATTTACTTTCCGA  
TGGGGAATGCGGCCACTGGTTTCTTTGTGACATTTGCTTTGTTGGCCGGTGTGTTTGGAGCTGCTTCAGCAATC  
TCAGGATTGAACCATATTCGATCATGGAGTGTTGAAAGCTTGGGGGCTGCTTCTTCTGCTGCTGTTTTTGTCTG  
GACTCTTACTATTCTTGCCATGGGCTTTGCTTGCAAAGAGATTGCATTGGATTTAGAAACGCAAGACTGGTAA  
CAATGGAGGCATTCTTCATAATTCTGTCAGCTACACAGCTAGTTTACATAATGGCCATCCATGGTGTTATTTCCA  
CAAGATAAAGAGCTGAATGAATGATGGAATATTTGTTTGATTCAATTGCCATTTTCAGTTGTCTTTTGGTGTTT  
GGTTTCTATATGCAAAAATTGCAACTTGCAAGGAGATTAATTTAGAACAAATTTTATTTATTTATTTATTTATTT  
ACTTTTATTTTATCTTCTTTTTTGTGATTTGTGTGGTGTGATTTTATTTGTATAAAATATTTGACAATAAATATT  
GGTTTGATATTTTATTTGAAAGGTTCAATCACTTTTCTCTCCC

>trans\_c\_3372 AY123986|Arabidopsis thaliana AT5g18400/F20L16\_120 mRNA, complete cds

AAGTTAGAAAGAAAAACCTTATTTTAATTTTTCATTTTCCCACCCCTTATCCCACGTTCCCTTCCCTTTTCCCACA  
TTTTCTCATCCTTTTCCAACATTTTCTCTTCCCTCTCACTACCCTTTCTCTTTTGCAAAAACCCCTCCACCATCGA  
ACAACGCCGTTCTCCATCTCTTCACGCCGCCATCACAGTGAGCTTCGTGCGCACGTTCTCCATCGTTCTCCGGC  
CGTTCTCGAAACCCAGTCCTCCCCCACCATCGAAGCGTTGCCGTTCTCCGTCGTTCTCCATCATTTTTCGGCTAGC  
TCTTCGCCGGATACCACTATGAAGAGTGTGCTGGCAATTACAGATGACACTGTTCTGGCTACTAGCATTGTTGT  
TAATGTTTTACAAGAGCTTGGGAATGAAAATGTTGGGAATTGTGATTACAAATAAACACTCAAGCCTTTTCTC  
TCAATAGGCTGCCACTTGGAGCATCATCCATGGATGCTATCATTTCTATTTGTAGATCTGATTTTCCAAGTGATC  
AGTTGTGCGAGGAGATCTTAAGAGTTTTGAAGCCTGATGGGATAATCCTTATTCATAAGACTTCACAGTCTGTT  
GCAGTTGAGAAAGATGAGCCCATTTTCATGGTTAGAAGATTACTTTTGGCAGGCTTTCTTGAAGCTCAAGTAA  
TAGGAAAGAAATTAGTTTCTCCATCTGATGTAGAGAACTTCGTGATAAGAGCCAAAAGGCCTTCTTGGAAAT  
TGGCTCCTCTTTTGTATTAAGAAGCCTGCAAAAAGTCTACCAAAGATTGAGCTTGATGATGATTCTGATTTGA  
TTGATGAAGATACTTTATTGACTGAGGAGGATTTGAAAAACCTCAG

>trans\_c\_3373 NM\_102471|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT1G27090) mRNA,  
complete cds

ACCACCTTTCTTGGTGGTGCTCCGACCATCCCATTCTCTCCACCGCCTTCACTGGACTTAACAATGGCGGCT  
CTCGCTCCCTCTGATGTCTCTGATGGACCAGTCTCAGCCTCATCAACAAGCGTCTCCGCGCCCTTCGCAAGAA  
ACACAATCGTATCCTTCAGATGGAAGAGGCTATTTCTCAAGGAAAGCCTATCAACAAGGAGCAAGAAGAAGT  
CCTTCGCTCTAAGCCTTCTGTTACTGCCCTCATCGACGAACCTGAAAAGCTTCGACTGCCTTTATCATCGGCTGT  
CTCTGAGGAAATCTGCTTGGCTGTACAACGTCAACAGGCGAGTGTTCCTCTCAACCTGTTTCAACTGATGATT  
CGCCTACGGAGGTTAGGGATGAAAACGACAGTGATGTGAAAGACCAGTCCGAACACGCCGTGGTTGAGGAC  
CTTTTAAACCTTCTCTATTTTGGCTCTTTGTTTGATGTAAAGTCTCAAAGCGATTTCACCTTCTACGATGCTTACGA  
GAACGCATGAGAGAAGTTGTTGCATCACCTACGATTATGTCACTGACGATGCTACCGATCTTCTCGTTGAGAG  
GGATTTGGATTTGATATCGATGGTGAGCGGCCTATTGGTCTCTCGTCCCGTGGATTTCGAATTTGCCTCATAAGA  
ATGCGTTGGAGCGTTGCATCGAGCACGCGAAACTCTGGCTCATGAAGGCTGATCAACCTATTGAACCCAACAC  
GGATGTTACTTATGCGAACTTAAGAGAGAGGCTGCACAAGATCATGGCGTCGGATTACTTCACTACCACGCCT  
GAGATAAAAGGTCCTGTTGAAGTAGCTGCTGTTGCTGCANGAACTATGCCAATTTTC

>trans\_c\_3374 Novel Gene

AATTTTTTTCATTTCCACCACAACCTCTCTCCTCTTCCATGGTTTCTTATAATATCCCAAACCTCTCTCCTCTTTTTT  
CTCCCTTTCTTCCACAACCTCTTATTTCTTTCAATGGCTATGAACACAAACAATACTTTATGTTTAGTTTCAGCCA  
TGGATCGCCTTTGGTACCACCAAATCATTCTTTGCTCAGATCCATTCACTTCCATTTTCCCAATTTCTTAACTC  
AACATCTTCTTTTCTTTCACTAACTTCGTCCCTTCTTCCCACTATCACCTCTAATGGACCAAACAATTGATCTA  
GTTCTTCTCTCTCGTCGTCCTCTCCGACAACATCTCCCTCGTCTCACAGTGGGAAGAAAATTGAACAAATCTA  
CAAGTTGCAAAAGTTTAGGGGAGTTAGAGCTTGAAGAAGTGAAAGGGTTTATGGATTTAGGGTTTGAATTTA  
AGAGAGAAAGTTTGAGCCCTCAAATGGTGAAGTTGGTACCTGGTTTGCAAAGGCTTAGAACTCAAACAAACA  
AACAAAATCTCGAAGAAGACGACGATGGCGATGGCGACGACCACCAAGAAAATGATGATGATGATGATGAG  
AAGAGAGAAATAGCAAGACCATATCTTTCAGAGGCATGGATAATAAGAAGACCAAATTCTCCTCTTTTAAATC  
TAAGGATGCCTAAGGTTTCTTCAACCTCTGACATGAAGAAACACCTCAGATCTTGGGCTAAAACCTGTTGCTTTT  
GAAATTCATAAAAAATACTTCGACTTAATCATTTCGAAATTTTCACTTTAATTTTAAACAATATCTTTTTTATAAA  
CAGCAACATGAATTCCGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3375 NM\_113321|Arabidopsis thaliana PMP (PUTATIVE TYPE 1 MEMBRANE PROTEIN)  
(PMP) mRNA, complete cds

ACGGTCACAGGCTTCACTGATTCTCTCCAGGATGGAATTCTGCAATTCCTCTTCTTCACTCTCTTAATCATC  
CTCCCTCTCGCCAGGTGCGAGAATACTGGCTCGATGCTTTTCGTTGATAGCTCCTCGCATCAATACCTTCGATCT  
CATTCGCCCCGATGATGGCTTCGAGGTCAGTTCAATGTCACTATCAGAAGTTGGTGCTGCTGTGTCAGTCTTGCT  
TGGTTTTGCACCGCCTTCAACGCTTTTCACTTCTTTCATCATCTAAGCTGAATGGGATTTTATGATGCCAAATCCACT  
TGATAGGCCTCGTTCAGTTTTTATGCTTGAAATTAAGGAGAATATGACCCTGAAATTGTAAGCCTGGAAACA  
GGCATGTCCAGCAATGTTCTTACGAGCAAGGTTTCATGTAGGTTCTGAGAGTGCTGACATCCTACTTCTGGTG  
AGGATGAAGTTTCTATTGTTCTTTGAATGAACCATTGTCTGATTTTACTGATGAAGATATTAGAGAGTTTGCG  
TCCTTCATTGGTGGAGCATATGTTGCCGATGCATCAAAAACCTTTAAATGGAGAGTTTACTGTGACTGATGCTGT  
TAAGATCAATCTTCATCTGTCTAAGACAGGGGACAGAGAACTTATTAGCAGTCTTTTGTCTCTCTATCACAATA  
TTAAGAGGGGCTGCGCACATTCATGAGGATTTGTCAAAAACGTGCAAAGTCCATCTGAGCTCATCACTGGCTC  
TTTCAATGGCATCAAGGCGTTCCAAGATGAAAGTGATTCTGAATGAGATGCTGTTTCATAGATCGAGACTATTT  
ACTGTTGCTCTGTCAAATATTCCACTTACTCCNAAAAGCGTATGATGGTCAA

>trans\_c\_3376 NM\_111014|Arabidopsis thaliana CYP38 (cyclophilin 38); peptidyl-prolyl cis-trans isomerase (CYP38) mRNA, complete cds

ATTGATAATAAAGCCATTAGGGAAGTTCAAAAACCACTAGAAGACATTTCTGAAAGTCTTAAAATTGCTGGAG  
TCAAGGCACTTGATTCTGTGGAGAGAAATGTGAGGCAGGCATCCCGGACGCTCAAGCAGGGGAAGAATTTG  
ATCATATCTGGGTTGGCAGAATCGAAGAAGGAACATGGAGTCGAAGTTCTTGGTAAACTGGAAGTTGGACTA  
GATGAGCTCCAACAGATTGTGGAAGACAGAGATAGAGATGCAGTTGCACCAAAACAAAAGGAGCTTCTTAAT  
TATGTTGGCAGTGTGAAGAGGATATGGTCGATGGCTTCCCATACGAAGTGCCCGAGGAATACAAAAATATG  
CCCCTATTGAAAGGGAGAGCAGCTGTGGATATGAAGGTCAAAGTGAAGGACAACCCGAACATAGACGAGTG  
TGTTTTCCATATAGTTTTAGATGGCTATAATGCACCAGTAAGTGCTGGGAATTTTGTGCACTTGGTTGAAAGAC  
ACTTCTACGACGGCATGGAAATTCAGAGAGCGGATGGTTTTGTTGTTTCAGACTGGTGATCCAGAAGGTCCTGC  
AGAGGGTTTCATCGATCCAAGTACCGAGAAAACACGAACCTATACCATTAGAAATCATGGTTGAAGGGGAGAA  
AGCGCCTTTCTATGGAGAAACATTGGAAGAGCTTGGTCTTTACAAGGCTCAAACAAAACCTCCCTTCAATGCAT  
TTGGAACAATGGCCATGGCTAGAGAGGAATTTGATAACAATTCAGCATCTAGTCAGGTGTTTTGGCTGCTGAA  
AGAAAGTGAACCTACTCCTAGTAATGCTAACATATTAGATGGTCGATACGCGGTGTTTCGGTTATGTAAC TG

>trans\_c\_3377 NM\_113435|Arabidopsis thaliana auxin-responsive family protein (AT3G25290)  
mRNA, complete cds

ATACTTTTAATTATATTCCCATTCCAGTCCCCCAAACTCTCCCCAGCCCCAATTCCTCTCCTCTTCCCTC  
CTTCTTCAATGGCTTCCTCGAATTGGGGGTGTTCTCTTCCCTTACCCTTTTTCTTCTTTTTCTCCCCGCCCAT  
TCTCAACCCTGCTCTTCTAGAACATTCTCCAACAACAATCTCTACTCTCATTGCTCCCATCTCCCTTCCCTTCTGC  
TTTCTCCATTGGACTTACGACTCCTCTAATTCCTCTCTCTCCCTTGCCTTCGTTGCTAAATCCACCGGATGGATC  
GCTTGGGCTATAAATCCCACCTCCACCGGCATGGTTGGCTCTCAGGCTCTCGTTGCCTACCTCGACTCCGGCGT  
ACCTCTTGTTTCGTACCTACAATGTTGCCTCTTATGGCTCTGTTAAGCCTTCTAAGCTTTCCTTCGAGGTTTGGGA  
TACATCGGCCGAGTCTCCGGTGGAGAGTTGATCATTTTTGCCAAATTGAAGCTTCCAACCGCTGCTACTACGC  
TTAATCAGGTCTGGCAAGCTGGGCCGTCCGTGGATGGAACCTTTGGCGGTTTCATCCGTTCCAACCCGAGAA  
TCTCAACGCTAAAGGAACCCTAGGTTTGTCTGGTGGCGAAGTCAAGAACAACGATAGTGGTGAAGTGGATTC  
GCGAACATGAGGAAAAATATTCATGGAGTTTTGAACGCGGTGAGTTGGGGGCTTTTGTTCGGATTGGAGT  
AGTGATGGCGAGATACCTTAGGGTTTTTCCGTGCGCAGATCCGGCGTGTTTTATCTTCATATTCTTGCCAGA  
TTTCTGCATACGCTATTGAAGTAGCTGGTTGGGGGACTGGAATGAAG

>trans\_c\_3378 NM\_001124150|Arabidopsis thaliana GC5 (golgin candidate 5); protein binding  
(GC5) mRNA, complete cds

CGTTACCAAGCAAGTGAAAGACGTTGCGAGGAGTTGATCACTCAAGTCCCAGAGTCTACAAGACCTCTTTTGA  
GGCAGATTGAAGCAATGCAGGAAACAACCTGCTAGAAGGGCAGAAGCGTGGGCTGCTGTTGAAAGATCTCTT  
AACTCTAGGCTTCAGGAAGCAGAAGCGAAAGCTGCTGCTGCTGAAGAAAGAGAGCGATCTATAAATGAACGC  
TTGTCCCAAACCTTATCTAGAATTAATGTTCTCGAGGCGCAGGTTTCTTGCCTCAGAGCAGAACAGACTCAATT  
AAGCAAAACCTTGAGAAGGAGAGGCAGAGAGCAGCTGAAATCAGGCAGGAGTATCTTGCAGCAAAAGAGG  
AAGCTGACACTCAAGAAGGTGCTGTAAACCAACCTGAGGAAGAAATGAGGGAACCTAGAAGGAAACACAAG  
GAAGAGTTGCAAGAATCTCTGAGGCATAGGGAGCTGCTGCAGCAGGAGATTGAGAAGGAGAAAAATGCCAG  
ATCAGATTTGGAGAGGAAAGCTCATCTCCATTCTACTGCTGTGGCCGATCATAGTCCCATAAAAAGGCATAAT  
TCAAGTTTTGAGAATGGTGACTTGGCACGTAAGCTCTCAACTTCTAGTAGCCTAGGAAGCATGGAGGAAAGCT  
ATTTTCTTCAAGCATCTTTAGGGTCGTCTGAAAGTTTATCTGATAGGAAAATCACTGGGGATGTACCCATGAGT  
CCATACTATATGAAGAGTATGACTTCTGGTTCTTTGGAGGCTGCTCTTCGTCAGAAGGAAGGGGAACCTGGCAT  
CTTATGTCTCCCGATTGAAATCAATTGAATCTATCCGTGACTCTCTTGCTGAGGAGCTAGTGAAGTTACCTC

>trans\_c\_3379 NM\_001073564|Oryza sativa Japonica Group Os12g0562900 (Os12g0562900)  
mRNA, complete cds

TTATTATTACTTTTAATTTTGTGGAGGTTTTGGGTTTTTCCCCAATCGGCAATGGCCTCCGAATCGTCTTC  
TTCTTCCGGCGCCGTCGTAACCTGACAGAAGAGGAATTCCGGCGGCTCAGTTCGTGGAGGATGTTTCGTACCTAT  
CTCTCTCAGTTACAACCTCGATGTTCAATCCGCCCTTGCCCTTCTTCAAGAGCGACTTCAGCAATACAAATTAGTT  
GAGATGAAACTCCTTGCTCAACAAAGGGACCTGCAGGCAAAGATCCCAGACATAAAGAAGTGTTTGGATATA  
GTTGCTACTTTACAAGCAAAGAAGGAGGCAGCCACTGGTGAGCCACTGTAGCAGATTTTGAGATCTCTGAAG  
GCATATATTCTCGGGCGCGTATCGAGGAACTGACTCAGTTTGTCTGTGGCTTGGTGCAAATGTCATGCTGGA  
TTATTCATATGAAGAGGCCATAACCCCTTCTACAAAAGAATCTGGATAATGCTAAAGCGAGTTTAGAAGTTCTTG  
TTGCCGATCTACAGTTTTTGAGGGACCAGGTGACAATAACTCAGGTGACAATAGCTCGTGTTTACAACCTGGGA  
CGTTCATCAGCGTCGAGTTCAGCTAGCTGGCGCCAGTGTAAGAACTCGTAAGTTTTATGGGCAGCCCTAAA  
AAGTTCCATTGTTGGCAGAGAATCCATTTCTGATTGGCAGTTCGCTCCTGATCCATACCTTTGAATTTAGGCC  
GTTCAAAATTTCCCTTTCTTGTCATTGTCAATGGAAAATGAACCTTTTCATTCGTGGGTCCTAAGCGCACCTACA  
CTTTCACATAATACTCCCCATAACACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3380 M75731|Nicotiana tabacum ribosomal protein L27 mRNA, complete cds

GACTTCATATCCATTTCTTTCTCAATTTCTCGTCTTCCCTTCTGAATCCCCATTCCAGCCATGACTTTAAACCTA  
GTTGCTTCATTAGAGGTCTCTCTCTCGCTCTTCTTCTCTTTCTTCAAAGGCGATTTGGGCTCTATTCATACCC  
CTCCTAACCTCTCCCTCTCCTTCCCAAACACATTTCTTTAACCATTGAAAACGCCCAAGAAAGGAGCTGGTA  
GCACCAAGAACGGTCGTGATTCCAAGGGCCAGAGGCTCGGCGTTAAATCTTCGGGGATCAAGTTGCTAAAC  
CTGGTTCCATTATTGTTGCTCAGCGTGGAAGTCCATGCCGAAAAAATGTAGGGCTTGGCAAGGACCA  
TACAATTTTCTATTGATTGATGGACTTGTAAGTTCGAGAAGTATGGACCTGACAAGAAGAAGGTGAGTGTT  
TACCAAGAGAAGTGAGCCTGAGAATCCAAACAGCTATAGAGCAAGGAAGAGGGAGTATTCAGGTTGCAA  
AGAGAGCGCAAGAAAGCAAGAAAGGAAGGCATTATTGCTCAACCCCAATTAATATTAGCTTCCACTGATGAT  
GTTGAAACCAATCCAGTTTGCTGATTCACTTCAATCTCTGCTTGTTTTAAAGCCCTGATGATCTTGAAGATTGA  
AGGTCTGCTTCTATAGCTTCTCCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTTTATGC  
ACATATAATTTGTCAGATTCTTACAGGAGTGTTTCATTATCATTCTCAATTAGCAATGTTCTACTTTTTTGCCC  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3381 BT024790|Arabidopsis thaliana At4g01897 gene, complete cds

GGATTTCAATTTCCCAATCATCTCTATTTCTATTCCAACCTGAAATTTGAGACGAGACCCATCCAAGGTCATTCC  
GGTGACTGATTGAATCACAACCTTAGAAATGGCCGACCAGAATGAGGACGAAAATTCTGCCGCTACGGAAGA  
GTTTGTTTACAGAATCAGTACATCCAAGGAATGGGATGAATCACAGCGCCTTGGCCATATCTATGGAGAACAC  
CTCGACAAATCTCCGGTTTCATTCTCAGTAACCTCAATCAGGTCCAGTCCACTTTGCAGAATTTCTTCTTG  
AATGTCAAAGATCAATTGTATCTCCTTCAAATTGAAGCCAAAAAGCTTGGTGATGGATTGATTTATGAACTTGT  
GGATGGTTACAATAGCTTTCCTCATTTCTATGGTCCGTACGAAGTTTCAGCCCTATCCCTATGGATGCAGTAA  
CAAAAGCAGATAAAATAACTTTTTCTGATGGTCGATTTTCATGTAGTTTACTCGAATAGGAATAGCTTTAGTTG  
GCATTCCAACCTTTGAATTGTATCAGCAAACCAATCGCTGCTCAATGTTATAGGCTGCAGAAGCCAAGCACCTAT  
ATTTCTGCAGCCTTTTTCTTTTCCAATTTGTAAAGGACATCGGAGTCTTAAATTCGTGTGAGCTTTTGGGTAGT  
TATCTGCTTTATCTGAGTCGTCCTATTACCAATCCAAGAGCCACACTGCATAATATTAGAAACGATGAACCGTT  
GTTAATGCCTTCATTTATCAGGCAAAATGGGAATAATAACGATCACTTTCAATTGTGGAGAATATATTATATA  
TCAAAATATTGTGTGGAGATATTATTTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3382 AY496127|Capsicum annuum ribosomal protein L11-like protein mRNA, complete cds

CGCAGCACCAACATCAGCAACGCCTAAGCCGCAGCCACCTGCCACAGAACTCCAATGGCTTCGGAGAAGA  
AGTTATCGAACCCCATGAGGGATATTAAGGTGCAGAACTCGTCCTCAACATCTCTGTTGGTGAGAGTGGAGA  
TCGCCTCACCAGAGCTGCCAAGGTGCTTGAACAACTTAGCGGCCAGAGCCCTGTTTTCTCTAAAGCGAGATAC  
ACTGTAAGATCGTTTGAATCAGACGTAATGAGAAGATTGCTTGCTATGTCACTGTTAGAGGAGAGAAGGCG  
ATGCAACTTTTGAAAAGTGGATTAAAGGTGAAGGAGTACGAGTTGCTTCGTAGGAACTTTAGTGATACTGGA  
TGCTTTGGCTTTGGTATTGAGGAGCACATTGATCTTGGGATCAAGTACGATCCATCCACCGGTATCTATGGTAT  
GGACTTCTTCGTTGTTTTGGAGCGACCGGGATACCGTGTTGGACGTCGCAGGAGGTGCAAGTCTCGTGTTGG  
GATCCAGCACAGAGTCACAAAGGAGGATGCCATGAAGTGGTTCAGGTGAAATATGAGGGTGTGATTCTTAA  
CAAGTCCCAGCAAATCACTGGTTAACTTCATAGGGTTTTCCCTAATGGTGTGAGAGATATTTGCGTTCAAG  
TTATAAAATTTTGTGCCTTTGAAATTAGCCTGACTGAAGCTCTGTGTTATTTATTTGGATATTTTGGAGTTTA  
ATGGAGATTATTAGGATCAATTCGAACAACCTCTTTAAAGCTGTTGCTAGTCATATGTTTTATTAATTATATTCT  
TCAGCTACTTATGAAAATAAGATTACTTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3383 NM\_102166|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein (AT1G23180) mRNA, complete cds

TCTTGCAATTTAGCAGCCTCCCGACTATTAACAAAGCTTCTAGACTCTGAAAAGTTCAGCAACAAAATAAACT  
CTACCCTTTTCACTAAATTGCTTCGTAAAATCCTTAAGTCGGACATTCCCATCAACCACAAAGATTGGATTGCTG  
CTTGCTAATCAAAGTCAGTTCCATCTCGACGCTGAACCCAGATTCCGGAGATCCTATCAACATGGAGGTCCT  
CTATACGAAACAATACCAAGACTTATTGAACAGATTAAAAGCTCCTTCTCATTGGAAGTTCAGGAATCTGCTGT  
CGTGGAGCTGAATAGAATAGTCTCAGAAGGAATGGTCGATGCTACCCGAGCTGTTGCTTTGAAAGGCGGTAT  
CTTTCCATTAGTAAAGCTGATCGATGAAGGAAGTGAGAGGGCAACAGAAGCAGCCTTAGCTATACTTTATAAT  
CTGAGCATGGACAGTGAAAATCATCCAGCAATCATAGCTGCTGGAGCTGTGCCAGCATTGAGGAGAATTGTT  
CTATCACAACGTGTGCAGTGGCGACAAGCTCTTTATTTGTTGAGGACGTTGCCAACATGAAAAAAGGTACGCA  
AAAAGAAGCATACGGAACAGAATTATAGTGGATAATTCAAATTTTTGTAGTTTTTTGTACCAATATCAGTCACTT  
CAACTTAAACAATGTGAAACTGAATAGAGCAGTGAGCTTTAGAGTGTTGTATAACATGACATTTCTTATTTGAT  
CTGAATTGTTTATGTTTATCCAGAAAATTCTGGAATTAGGTAATAGGGTTGCCCTCATTATGCATCTTCTCAGTT  
CTTTATAATATCTTCTAAGGTTACCATAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3384 FJ426562|Populus tremula x Populus tremuloides glutaredoxin S12 mRNA, complete cds

AAAGTGAGAAAGTGAAACCTTTTGATAGGTTACAACAAATTGAGAAGATGAAGAATTGGAGCTTGAGCTTGA  
AATCAATGGCGGTTCTTCCAATTTACCTCCGTTCTCCTCAAATTCCTCGCCCTCTTCCTTCTTCTTCAAAGC  
TTCCGTTTTTCCCTCCCTTTTACAATTCCTGCACTTCAAATCCATTTCCATCTCAAAACACAATCCCTCAATG  
GCTTTACGAGGACTAGATCCATGTCGATTCAATCCGTTTCTTCTTCTCCTCCTCCTCCTCCTTCTTCTTCTTT  
GGTCTAGGCTCGAGGAGAGTGTCAAACTACAATTACACAGAACCCAGTTGTTGTTTACTCCAAGACATGGT  
GTTGCTATTCTTCTGAGGTTAAGGCTTTGTTCAAGAGGCTTGGAGTGAGCCATTGGTCATTGAATTGGATGA  
ATTAGGTCCCCAAGGGCCACAATTGCAAAAGGTACTTGAGAGGCTTACAGGACAACATACGGTACCAAACGT  
TTTCAATGGGGGCAAACATATAGGTGGTTGTACAGATACTGTGAACTATACCGAAAAGGAGAACTCGAACCT  
ATGCTATCTGAAGCTAATGCTAAACATTGAGAGGCATAAGCCTCAAGGCACATTTTGTCTTCTGAGCCATTGG  
TGACTGACCTGTTGTTGATGTTTTCAATTCTACCTCAAGAGACACTTATGTTTTAGTTAGGAAAATTATGTATG  
TTAAGCTATTTGTGGATGAAATTGGTACAAGGAACCTCAACTTGTGCCATGAATAAAAAACATTTATTACCAT  
TTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_3385 FJ619057|Jatropha curcas ribosomal protein L15 mRNA, complete cds

AATCGGTGTGTCTCCAGCAGCCTGTGTTCTTTCCGATGGGGGCGTACAAGTACGTGTCAGAGCTATGGAGGA  
AGAAGCAGTCCGATGTGATGAGGTTTCTACAGAGGGTGAGATGCTGGGAATATCGCCAACATCCATCAATTG  
TCCGCGTCAATCATCCCACTCGCCCGGATAAAGCTCGGCGTCTTGTTACAAAGCCAAGCAGGGTTATGTGGT  
TTACAGGGTACGAGTGAGACGTGGTGGTAGGAAGAGGCCTGTTCTAAGGGTATTGTTTATGGGAAGCCAAC  
AAACCAGGGTGTTACCCAATTGAAGTTCCAGCGTAGCAAGCGATCGGTTGCAGAAGAACGGGCAGGGCGAA  
AGTTGGGTGGTTTGAGAGTTCTTAATTCTTACTGGATCAACGAGGATTCTACCTACAAGTACTATGAAGTGATA  
TTGGTTGATGTTGCCATAATGCGATTGCAATGACCCGAGAATCAAATGGATCTGCAATCCAGTCCACAAGC  
ACAGGGAGCTCAGAGGACTCACGTCAGCTGGCAAGAAGTACAGGGGTCTTCGAGGAAAAGGACATTTGCAC  
CACAAAGCCAGGCCTTCTCGCCGGGCAACCTGGAAGAGGAACAACACTCTCTCACTGCGTCGATACCGTTGAT  
TTTGGTATTGTTTTCTCTGTTTTGGTATTTTTATTATGAGCATTCTGTTTGTGAGGAATGTAGTGGAAGAAGT  
TACTTCAACTAAAAAGTTTTAACTTCATAATTTACATTTGAGATTTGTCAGGATGTTTCTAACTAAGCTAAGT  
AACTACTTTTGAGTTCATTGCAATTAATGTATTTCTTTTTATATCTCGTTGCGAGTTTTGTTGCG

>trans\_c\_3386 XM\_002867155|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata coclaurine N-methyltransferase,  
mRNA

TGGCCAGGGTCTCTCCTGGAAATAGAGAAGTAGATTTGAGGAAGGCATTGTACCACCTTCAAAGAAGTATCT  
AGTAATCCAATCATCTTCATTTACATCTCAAAGTGATAGGCAAACACCTTGTGGCAAAGTAATGAACAAATA  
GGAGGCTATCCTGTTTCATCCAACCTGATATTTCTTGAGAAGATCCTTGTAGTTCTTCATATGCTCAAACATTT  
CAATAGAAAATATTCTGTCATATTCAGCTTCCATTTCATATGTGCTTATGTCTGCAACTATGATGTTGACATTAT  
GCAGTTGGAGATCCTGGCACCGATCCTCGATGTAAGCTTTCTGCGTGATAGAATTGCAAACTCCTGTTACTGTG  
CAATTCTTATACTTTTGGGCAATGTACAATGAGAGCGACCCCCAGCCACATCCAACATCAAGAACAGTGTGAC  
CATCCTTCAACTGTGACCTTTCACAATACATTTGTAGCATTGCATCCTCAGCATCCTCTAAAGTACTTGATTTGTC  
ATTGAAATAGCAACAAGTACTTGAGATTCTCCCCAAAACCAACTGAAGAAGGAGGTTGGTACTTCGTAG  
TGTTGAGCTTTTGGCTTATCAGTCTTAATTGCTATGGGCATTTCCCCTAAAGAGTGAACGAAATGGAGGAGTTC  
GGAGAGTTGAAGTTGAGAGGAAGGTTTGAACCGGAGCGAAGACGAGAAGCGAGTAACAAGCGGGCGAAC  
GTTCTTACGACGGCGTCCGGCAACAAATCCGTTCAAGAGAAGCTAATGCAAGACGAACAGAAACGTCGTAG  
GGCATCTGAATAAGCTTCGCCATTTCTGCGTGGGTGAAGCTTGATCCCAAATATTACG

>trans\_c\_3387 AY058116|Arabidopsis thaliana AT3g04780/F7O18\_27 mRNA, complete cds

ATTCGGAGTTTGCTTTACAAAGAATTCATTCCCATTTCCCTCTTTTTCCCTTTCTCTTCTCCTTCGATTACCTATGG  
CTGCCGCATCTGCCACCGCTATTAATCGGAATCAGGTTGATCTGTCCGACTTCATTAAGTGGTCTGGTGTGCGAG  
TGCCTCAACCAGAATTTTAGCCATACTTTTACAAATGCTCTTAATCAGACTTGATAGGGATAATGACAGCTTGCTT  
TTGGAGAGTGATGCAGATGAGCAGCTTTGATATACATACCTTTTAACCAAGTCGTAAATTGCATTCCTTGGT  
CATCAAGGGACCTGAAGAGGAAGGTCCTAGGACTGTAAAGCTTTTCTCAAACAAGGAGAATATGGGATTTGG  
CAACGTCAATGACTACCCTCCCAGTGACACAATCGTGTTGTCCCAGATAATCTTACGGGAAAGCCAGAGGTT  
GTGAAGTACGTGAAATTTCAAATGTTCTGATGCTTGACAATTTTTATAGAGGATAACCAATCTGGAACCGACA  
CTACAAAAATTCAAAGATTGCCTTGATGGAACAACCGTTGAAACAACCGACATGAAGGGTCTGAAGAAGA  
TCGAGGATCACTAAATGCAGAAACCATGGTCTGTCTCACACATCTCATATGACTACGAGTAATTGATATCAA  
GTTCAAGTTTTCCGTAACGATAAGAAAGAACTATATAATGGCTTTTTGATGTCATATTCTGGAATTTTGATGAGT  
TTGTTATACCTGTTTGATCGGGGGCGATGTGTAGTTTCATTCAAATATATCCACACTTATGCACATTGTTAGGT  
AAGTTACAAAGGAGGATTAATGCCTGATAATTTACCTAACTATTANGGCTGCTTG

>trans\_c\_3388 NM\_001084645|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein (AT3G06330) mRNA, complete cds

AAAACATAATAATTAATTAAGAAAAATCCACAAATTTTCCTACTCATTTCACTCTCTTTCTCCTTCTACTCTTGTC  
TCTAAAAAATTTTCAGGTTCTTCTTTTCTGCTATAAGCGTTAGTGGGTTCAACAGAAATGGCAACAGTTTCAGCCACT  
TTCAAATGGGGTTTCTGAGATTACTCAAGAGGAAGACACCGAGATTGTAAAATCTGTAAATGAACAAACTTCA  
GATACTGGACATAGTAGTAGACGGCCTGATATTTCACTTCAAATACCCCCGAGATCGACAGGCTTTGGTAAAA  
GCCGTAGTGGAAAAGGTTTACTGCAATCTCAAGGTTCCAACAAAGGTGGTTTATCTCCAGGAAGCTTCTTAAG  
GGCTTTAAGCTTTAAGAGGAAAGGCATTGCTCCTGAAGGTGAGAAAAGTTCCTCCTAAGTTCAGACCCAAAG  
ACAGCTGCTGAAAGTTTCGATATCGACAATTGCTTCAGCCTTTTCGTGGAAAAAGTCCACCTCTCTCCAGTAAC  
TCCTGCATCAAACCTGTCCCCCTTGATTCCCCTCCCCGCCACAAGTAGTACGGTCGTTGAAAAGCCAATCCCACA  
TAAAGAAGCAGTGCCTGAGTTTCGAGATCTCTATCTGTGCCCCGTAAGAAATATCGTTATAGTACGATCTACAT  
CTTTTGCTACCCCTAGGGCAATTTCTGAGGCCAGTGCCAGTTCTGATCAGGCTGGTCTGTACCTTAGAAAAAT  
GATGATGAAGAAATTCCTGAAGAGGAAGCAGTTTGTAGAATCTGTCTCGATCCATGTGAAGAAGAAAACACT  
CTTAAATGGAATGCAGTTGCAAAGGAGCCCTTANGCTTGTACATAAAGATTGTGC

>trans\_c\_3389 NM\_117857|Arabidopsis thaliana UCH3 (UBIQUITIN C-TERMINAL HYDROLASE 3);  
ubiquitin thiolesterase (UCH3) mRNA, complete cds

AACGGTTGCGTCGTTTCGAAGCAAGGAATTGATTTGATCTTAAAGCCCTAAAACCTATCATTGAAGTAAGTG  
TTTGTGTTGGCATATTCCATTTCTGTTATCGAAGTGTACGAGAAGAAGCTCAGAAGACGACAATGGCTGCTGC  
TATTCACGAAACCTCTTCTTCAGCTAAGCGATGGCTTCCACTGAAGCTAACCCCTGATGTTATGAACCAGTTTCT  
TTGGGGTCTTGCTCTCCAGAAGATGAAGCAGAGTGCAGGTGATGTTTATGGCTTGGATGATGAACCTTTGGAC  
ATGGTGCTAAGCCTGTTCTGGCGGTTTTGTTTCTTTATCCATAACCGAAAAGAGTGAAGAAGAGAGACGGC  
AACAGGAAAAGGAAGCAAAGAAGGATTACAGCAATGAAGTATACTTTATGAAACAAACAGTTGGCAATGCCT  
GTGGAACCTATTGGACTGCTTCATGCTATTGGGAACATTACTTCGGAAATTAAGCTTTCGGAGGGTTCATTCTTG  
GATAGGTTCTTCAAGTCTACCAAAGCATGGATCCGATCGAGCGTGCAGCATTTCTTGAGAAAGACAATGAAA  
TGGAAGTTGCACATTCGGTAGCAGCAACTGCTGGAGATACCGCAGCTCCGGAAAACGTCGATACTCACTTTAT  
CTGCTTCTCATGTGTGGATGGGACACTTTATGAGCTCGATGGGAGAAAGACGGAACCTATATCACATGGTCCA  
TCATCACCCAACAGTTTATTACAGGATGCAGCTCGAGTCATAAAAGACATGATCTCGGATAAACCCGACTCGC  
TGAACCTCAATGTCATTGCCATCTCAAAGAAGACTGGGGAAAGGAAGCATGTGAAGGCGACC

>trans\_c\_3390 AY105227|Zea mays PCO136828 mRNA sequence

TATCCATTGGGTAAGTTTTAAGAGATGAGTTGATCAGATCGTTGATTCCCAGAGAAGAAGCAGTTGGTCGGC  
GGCAAGGGTTTTTCTTCGTCGTTCTCAGCTTCTCATTCTTCTAATATTTCTCTATGCTGCCGTTATTTCCAAGCT  
TCTTCCACCTTCAAACAACGCCTTCTTATCTGCTATTCAGAACGACTGGTATTACTGTCTCCTTGTGCCCTTGAC  
ATTACCTATCCTTTACGTTGCCGTTTATTTCCATTGGTTGAGTATGAACTATTCAAGCATGCTTGATCATATCG  
TCGTATGAAGATGAAGGTTTCGAGCTAGTTGAGCATCTAAATCTTGGGAAGATTCAACCACCTTCCATGTCTG  
GTTGAACAACGATGTGATGCGTTTGAATTTTTCAGTACCTAAGGCAATAGAGGATGTACAGGTGAATTACCG  
GAGACATATGATGATCATGCCGAGCGAATTCACATCGGCAGAGTGTCTTGGGGTGATTTTTGTAGAGGCTTT  
TGTTATGAAATATTCATCCATAGTGGTTGAATGGTATGGATATATCATTAATAAGGTCAGTGTCTTCGAAGCC  
AATCTAGGGAAAACGAAAACAGCTTGGCTTATACATATGCACAATTCTTGAGTCTTGAGAATTGCTTGATTCT  
ACTTTCAGTAGTTGTTTGATCAAAAGTGGCGTGGGGGAGAATTGTTGCACGAGTCTACCTTTGCCAAATTCTA  
AATTTACAATATTAATGTCAATTTTATTGTTTTTAATTTATAAAAAAATCAATTTTATTGTTTTTAATTTATAAAAA  
AGTCACCCACGGTATTGCACTCTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3391 AJ420786|Sinapis alba mRNA for chloroplast casein kinase II alpha subunit (cpck2a gene)

CTTTGTGGAGGGGATAAATATTGTGAAGTTGCTTGATATTGTTTCGAGATCAGCAATCAAAGACGCCAAGTCTTA  
TATTTGAGCATGTAAACAATATTGATTTTAAAGTTCCTTATCCAACACTTTCAGACTTTGATATTCGCTACTACAT  
ATATGAACTTTTAAAGGCCTTGGATTATTGCCACTCACAAAGGAATTATGCATCGAGATGTCAAACCTCATAATG  
TGATGATTGATCATGAGCAACGTAAACTTCGTCTTATAGATTGGGGTCTTGCTGAGTTTTACCATCCTGGGAAA  
GAGTATAATGTTCTGTGTGCTTCGAGATATTTTAAAGGTCCAGAACTTCTTGTTGATTTACAAGATTATGACTA  
TTCTTTGGA CTGTGGAGTCTTGGCTGCATGTTTGCTGGAATGATTTCCGCAAGGAGCCGTTTTTCTATGGAC  
ATGATAATTATGACCAGCTGGTCAAATAGCTAAGGTGTTGGGGACAGATGAATTGAACACTTACTTGAGTAA  
ATATCGTTTAGAATTAGACCCAGATCTTCGACTCTTGTTGGGAGGCATAGTCGAAAACCTTGACCAAGTTCA  
TTAATGTTGACAATCAGCATTTGGCAGTCCCTGAGGCTGTTGACTTCGTTGATAAACTGTTGCGCTATGATCAT  
CAAGAAAGGCTAACTGCTAAAGAGGGCAATGGCCCATCCATACTTTTTCCCAATTAGGAATGCAGAAAGCAGCA  
GAACTCGGAACCAAGTAAATCCATTTCCAGGTGGGAAGCTGACTATGTGTGCCTTCTCTCTCTCTCTTAATC  
TTCTCTGTGTCTCTGTCTGTATTTTGGCCATTCTCTCTGATGTTTAAAACTT

>trans\_c\_3392 NM\_101859|Arabidopsis thaliana HYD1 (HYDRA1); C-8 sterol isomerase (HYD1)  
mRNA, complete cds

AGTTGTGTTTCATCGGACAAAGTTGATTGAAAACTAGAGGGGAAAAAGGAAGGAAAGTACCGGATGGCAGGGGC  
ATCTGAAGCTGCTCCCCATCCTTACGTTCCACCGATCTCAAACCTCCCTGACTATGTTCTATTTCACCTTCTCTC  
TCTACTATTCTCGGCGGCTACCTCCTGTCTTCTCTTCTCCTCGTTCTCCTTCTTTGGACGCTTTCGGACGACTTA  
CCAAAAAGACAAAGATTGATAGGTTGCTGATGTGCTGGTGGATATTTACTGGCCTTACCCACATGGTTCTCGA  
GGGTTACTTTGTTCTTTCTCCAGAATTTTACAAGGACAAGACTTCTTTCTACCTGCCGAAGTTTGGAAAGAATA  
CAGCAAGGGAGATTCTCGATACGCAGCTAGGGAGTCTGGAATTGTGGTATTGAAGGACTGACTTCTGTTTTA  
GAGGGTCCAGCTTGCATCTTAGCAGCGTACGCGATAGCATCGGGAAAGTCGTACAGTTACATACTACAGTTTCG  
CCATATCATTGGGTGAGCTCTACGGGACATTGTTGTACTACATAACAGCTGTGTTAGATGGTGATGATTTTTCT  
TCAGGTCCAATTTATTACTATTCACTACGTAGTGGCAAACCTCATTCTGGCTTCTTATCCCCTCGCTTATTGCTA  
TACGGTGTGGGAAGAAAATTTGCAATGCAATGAGCATTGAAAGCCAAATGAAAACCAAAAGCCTCTAAGTTAT  
CAATCATGTACTACACAAAATTCTTGTTGTATTATTGTATGCCATTTAGTAAACTAGACATTGCTGGAATTTTAA  
CGTTTACTTGAAAAATTGGGTATGTTTTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3393 AY075595|Arabidopsis thaliana AT3g24740/K7P8\_3 mRNA, complete cds

GGTTGTTGAACATCTCTCACGTTTCTGCGCTATATCTCAGCGACTCCTTCACGCAATCCTCACCGTCGACCCAAC  
CCCGGATGAATTCCATCAAATTCTGCTTTTAGTCAAGGACTTGTACAGACCTTGGCGTCTTGGAGAAGTTGCTA  
ATAGTTTTAGTCAAGGGTGTATTCCACCAATTACTTCTACAGTTACAGTTCCTTGCTTTGAATTTGTAGACCTGT  
GATTTTGCTTTAATAAAAGCCAGAGTAAGCATTCTGTAGATTTGAATTGGTAGCACAAATAGAGATTGAGAAGC  
CTCCTGTAGGAAATATATAAGAGCTGCTTCTCTTGACTTACCTAGTGTTCAAGATGGCTGGTGTGAAACGA  
AGAATTCATAATGATTGAGATATCCTTGCTTTGCATAAAGAATTGGATGAAGTCTCCTGCCCTATCTGCATGGA  
TCATCCACATAATGCTGTTCTTCTACTTTGCAGCTCTCACCACAAGGGTTGCAAACCTTATATATGTGACACAAG  
CCATAGGCATTCAAATTGTTTTGATCAATCCAAAAATTAAGAGAAGAACTAGGAAGAGTCCACGCTTATCAA  
GTCCTTTACCTATTAATCCATATAGTTTTAGTAATCCTTCTACAAACAACCTGGGTTTGAGCATTGATTTGAATG  
AAGTTGATGATAATCAAATATAAATGAAAGGAATACTGTTGCATCTGCTGGATTACCTGGTGTAGCTCTAGG  
GGATAATGGAAGTGAATTTCTAACAGAACTGTTGACACAAATGAGGCTGGAGATGTGGACACTGCTGGTTC  
TGGTCCATAACTGAAAGGGTTGATCAAGAAGGTTTGGATGCTGGGAACCTCATCTG

>trans\_c\_3394 AY104141|Zea mays PCO097932 mRNA sequence

AGGCTTTTACAACATAATAAACCAAGATGGTGGAGTCCAGCTTAGACGAAGGCGGCAGATGTTGCTGGAA  
GGTTTGGCAGCATCACTTCAGCTTGTTGATCCACTTGAAAAAGTAGCCATGGCGTTGGCCCATCTCCAAAAG  
ATGATATCGTGTTCTTGCGTTTGGTTTCTCTCCCAAGGTCGAAAGCTTCTTTCTAAATTTCTGAAGCTGCTTTTC  
CCTGGTAGTGAGCTTGCACGAATTGTCTGTATGGCTATCTCCGTCACCTACGGTTCTTGTTTGGTGGACTTCC  
ATCTGATCCTGGAGCAGCTGAGACAACATCTAATCTTTCCAAGACTGTTTCTACCTGTGTTAATGGTATGGACC  
TTCGTGCACTAAGTGCTTGTCTTGTTGCTGTTGTCTGTTCTCAGAGCAGCCACCACTACGCCCCCTTGGAAGTT  
CTGCTGGAGATGGGGCCTCTATTGTTCTGAAGTCCATTCTTGAAAGAGCTACCGAACTATTAAGTATCCTCAT  
GCTGCTAGTAACTGTAGCATGCCTAACCGTGCACTCTGGCAGGCATCCCTTGATGAATCTTCAGTCTTCTTAC  
CAAGTACTGTGTGAGTAAATATGAGACTATAGTGCAGTCATTATTTTCGACAGCCATCGAGCACTGATGTT  
ATAGGGTCAGAGGCAGCCAGAGCCATCAGCCGTGAAATGCCTGTGGAGCTTCTTCGTGCTAGTCTTCCCCACA  
CAAATGAACCCAGAGGAAGCTTTTAATGGATTTTGGCCAGCGTTCCATGCCAGTTTCTGGATTCAAGTCCCCAT  
GGTGGAAGTAGTGGGCAAATGAATCCAGAATCAGTTAGGGGGTTAGAAGAAAAAA

>trans\_c\_3395 HM640712|Leucocrinum montanum voucher Chase 795(K) 18S ribosomal RNA gene,  
partial sequence

AGTGGCGGCGTGCGCGGATGTGACTACATAAGTTGCTCAGATATCGGAACGCCGACAGGCCCCGGTAATCT  
TCGAAATTTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGAGAAATTCTTAGTAAGTGCAA  
GTTATCAGCTTGC GTT GACTACGCCCCTGCCCTTTGTACGCACCAAATGTTTGTTAAGTTTTCTTTTTTGGGAC  
TAGAAACCATCAATTCTTATGAAATTTTGTAGAAAAAGCTTTGCAATATCTTATGCCTTTGTGTTGGGCAATTGT  
CTCAACCAGATTTTCTTTAATTGTTTCACTCTCGATGGTGTGGGTTCTCACGAATTATTCTCCATCCTTGTTTTT  
TTAAGGACCCTGATAGGAAAATAGTGGATTATTAGTAGAAAATGAAGATGGTTATTAGTGGGGGCATATTGG  
TAGTTAGTAAGTTAGGTCTTTTTGTTACAAATAGTAGGGAGAGGAGTTAGGGAGAGGAAGAATTCTGTAGAA  
AGATTTCTTGTAAGGGAACCTTGGGAGAGTCTAGCCCTCTCGAAAAGGCTAGGGTTACTTTGTTTCTTGTTCC  
TATGATCTTTTAGTATATATTTTCAATTTAATTGTTCTTTTAAGTGTCTTGAAGGATCCTAATAGGTCTCTGGTG  
GGTTCTCACGGATAAATTGTGATAATGTTAGGCAGATTCTTTGTGGCCTAGAACCTAGAAGCTTTTGTCTACA  
GTCTCAGTTAAATCCATTGTCTTTAAATTATTGACGGAAAGAAATCAACCTATTTTTTAGGGGAAGCTTTTGCA  
AATTTTGAATCAGCTCTTTGAAGTCTTCCCCTTGGTGTCTGTTACCAAAGGAT

>trans\_c\_3396 X71397|S.oleracea atpG mRNA for chloroplast CF(o)II ATP synthase subunit 9

AAAGCAAAGCAAGATCAGCCTTATCAAATTGTGTGGTGAAGAATGAAGATTGTATAATGTAGATAGAAAAAG  
ATCCCCCATTCCCATTCCCATTCCCTTTTCTGAATCCGCCATTGTTATCTCTCTCAGACCTCCATAACCTCCATT  
CTACCCAGCCATGGCGAACGTTATCATGGCCTCTTCCAAACCCCTCTCCCCTCTCTTTCCATCTCCAACAAAAC  
CCCCAAATTCTCCATCCCTAAAACCTAACCCTAATCCACAATTCCTCAAAAACCCCAATCCATCTCCCTCTCC  
ACCTCCACTCTCAAATCCCTCTCCCTCTTCGCCGCCACATCTCTCTCCTTCGCTCCCCCTTCACTCGCTGAAGAGA  
TCGAAAAGGCCGCTCTCTTCGACTTCAACCTCACTCTCCCTATCATGATGGCTCAATTCCTCCTCCTCATGGTCG  
GGCTCGACAAAATCTACTTCTCCCACTCGGAAAATTCATGGATGAAAGAGACGCCGCCATTAAAGAGAAGCT  
GAGTAGCGTTAAAGACACCTCCGAGGGGGTCAAGCAGCTGGACGAACAAGCTGCCGCTGTCATGAGGGCTG  
CTAGAGCGGAGATTTGCGCGGCGCTTAATAAGATGAAGAAGGAACTCAAGCGGAGGTGGAGGAGAACTG  
GCGGAGGGGAGAAAGAGAATTGATGCGGAGTTGCAGGAAGCATTGGCGAATTTGGAGAATCAGAAAGCGG  
AAACCATTAATCGCTTGATGCTCAAATTGCTGCTCTTAGTGATGAGATCGTCAAGAAGGTTCTCCCGTTTAA  
ATCAATTCCTGGTCTGTTTCTAGGTTTCTAATGGGGCTTTAACATCGATCGATTATT

>trans\_c\_3397 M64261|Nicotiana tabacum 3-deoxy-D-arabino-heptulosonate 7-phosphate synthase, complete cds

AACAAGAAGGTAGCCATGCTGGAGGAATTCATTTGGAAATGACTGGACAAAATGTTACAGAATGCATTGGAG  
GATCCCGGACCGTAACATTCGACGACTTATCTTCAAGATACCACACACACTGCGACCCAAGGCTGAACGCTTCT  
CAGTCTCTTGAGCTTGCTTTCATCATCGCAGAGAGGCTAAGGAAGAAGAGGATTGGAAAGCAATCCCCACTTT  
CCAAGGCTTCTTTTAAACAGATGGAGAAATTTCTGATTACCATTTTGTGTTCACTTGTGAATGAGTTGGTAGT  
TGCCAGAACTCAATATTCAGTAACCACATTCTACCAATATATAAATGGTAGGAGGTAATGTTGAGGATCATA  
TTTTTAGTTTTGAAGGATTGGAGTATTTTTCTGTGGGGAATAAGTGAACCTCAACCAAGGAGCTGGAGAGATC  
ACAAGTTTTAGAATATGTTTTGACTAGTTTGTCTTTGAGTTTTATTTCATTTATGTACTCTTGAAATTTAATTT  
CTCCAATTGTGGAGCAGGAATTTAGATTTTGAAGAGTTTCAATGTAAACAAATCCTAATTAATAATTAAAAATGA  
AACTTTGATATTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAGGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTTAAACCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGCCGGGCCCAATTCC  
CCCAAGGGGGGTTAATTTACGCCCTCTCGGGGGCCCTTTTTAAACCCCGGGGGGGGAAA

>trans\_c\_3398 DQ157699|Solanum chacoense cytosolic nucleoside diphosphate kinase mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTTTAAAGGCAGACCAACTTCAGATCCATAAACATTAACAGTAGCTGATAGCAAACAGAACTCAAA  
GTACACCATAACGCCATGCTTATAGCCAGCTATTGATTAAACATAGAAATGTCTCAACCAAGTGGTCGGTTGTC  
AATTTAAAAGAGGTGAAAACACAAAACAAAGGGCCGCACAGAATGGGATGAACCACAGGGATTTATTTTTCA  
CTCGTAGATCCATGAATGAAGGCTACTCTGCCAGTTAACAGGACCTTCTGGGAACCAAGAGCAATTTCTTTC  
CTTGCACTCTCCACCGAGTCACTTCCATGAATGATGTTCTGCCAACATCAATTGCAAAGTCACCTCGTATGGTT  
CCCACATCAGAGTCTACTGGCTTTGTAGCTCCGATGATCTTCTACCAAGTTGCTACAACATTTTTCCCCTCCCAG  
ATCATTGCAACGACGGGACCAGAGATTATGTACTCAATCAATCCATTAAAAAAGGCTTTCCAGCAAGATCAG  
AGTAATGATTTTCAGCAAAAGCGCGATCCACAGACATGAGCTTCAAACCTCTTAGAGAAAAGCCTTTCTTCTCA  
AACCTACTGATAATCTCTCAACCAGGCCTCTCTGGACTCCATCAGGCTTGATCATGATAAAGCTCTGCTCCATT  
TTTGTGGACCGCGTTACGTTATGCTTCTGGTCTGCAACTGTGTAGTGTGTAGTGTGTAGTTGTAGACGCCGA  
GACCGCTGTTGAAGCGGGTGGAGGCGTAAAAGGGGTTTTATAGGT

>trans\_c\_3399 Novel Gene

AAGTTCCAATGTCTTTCCAGATGTTAACCAAACTTCTCTCATATCCTTGAACTTCAATTATTTCTCTCCACCCA  
GACAGACCAAATAAGAGCCACCCTGCATTCATGCAATGATATTTTTCTATTTGTTTTTTCATCGCATCGACG  
GATAAGTAGAGAGAATTGGTATTGCTAAGATCAAAAAGCCTGTGACCTGATTGAATAACCTTACCCAGAGGC  
TTTTGTGAAATTGCAAGAGATAAAGATATTGTTTCATATCTTCGGCAGTCGATTTGCACAGGACACATCTATTA  
GGTTGAAGAAATGATCTTTGTCCGAAGAGAGTCCTTTCTTTGTGGAATCGCCAAAGCCACTTACAGAGGAGG  
GCGGCTTTTGTGGTTTTTACATTAGTAATACTGAAACCTCTTTTGCATTTAGGAGATGTAACAATGGACCAACA  
AACCAGTTTGTACGTAGGCAGACTGGAGAGGGATGCTTGGATCAATGTTAGTTTTTCCCCTTTGGATATTTAC  
GAGTATTTCCAACCATGAGCTTCTTTGAATTTTATCCACAATGTTGTTCCAGAAACATGATGAATTTGGTTTC  
CCTCCCAAAGGAGTTCCAAGGTAGTCTATAGGAAATTGCTGAATAGGAATGTTCCATAGGCTAGTAACTACAT  
TAGATTTATTTTGTGGGATGTTTAAAGGAGTAAAGGATGATTGGACCTGTTGATTGTAAGACTTAATGCTTC  
CTCAAAGAGGTGAATGGCTAATTTTAACTGTTGATAGCTTTTTTCATCATCTTCAATGAAGATGAGGATATCAT  
TTCGTAAAGAGCAAATAGTTTAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3400 BT029382|Arabidopsis thaliana At1g76020 mRNA, complete cds

AGACAAACCTCCATCTTCAAACCAAAAATGGAGAAACCAACACCATTTGCTCACACCTTCAATCACTACTCAC  
TTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCCTCGCCACTTTCTCCTCACTGCTCATGCTCAGAGTCTCCCCCGGCAAAATTC  
GACGGTTTCGTATACGGAAACCACTCACTAGACTTGAACACCATCCTCATCGAGGCGTTTTTCGATCCGGTTTG  
CCCCGACAGCAGAGACTCCTGGCCACCTCTCAAGAAAGCCCTCGATCATTACGGCTCTCGCGTTCGTCTCGTCA  
TTCACCTCCTCCCTCTACCTTATCACGAAAATGCATATGCAACATCTCGTGCTTTACATATTGTGGATTTGGTGA  
ATCCCTCGGATACATTCAAATTGTTGGAAGCATTCTTCGGGGATCAGAAGCAGTTTTACAATGCCGAAACTCGT  
TATTTGTCAAGGGCTGCTGTATGGATAACATTGTGAAGTTTGGAGTTGAAGTACTAGGGGACTCCTACAAAA  
ACACTCTGGTAACTGGTTTCAGTGACAGGGAAACCGATCTTTTGACACGTGTTTCTTTCAAGTTTAGCACCTCG  
AGAGGAGTCTATGGAACACCTTTTTTCTTTATAAATGGATTCTAGCTCCTGATAAAGGGTCTCCCCTAAATTAT  
GCCGAATGGAGAACTTGATCGACCCCTTGATCAAGAAAAATAAGAGATCGGGGTCTCAGCATCTGTCACTAT  
AAAGTATTTGGTCGACAAAAATCTCTATATGTCTCCATGGCCACCCATCTTAAATTACTATATTTATATCTATAT  
GGGTTGCAGATGGAGAGCATCTAATCTTGGAAGGTATGGGGGACTTGGC

>trans\_c\_3401 NM\_119729|Arabidopsis thaliana ATSERAT3;2 (Serine acetyltransferase 3;2);  
acetyltransferase/ serine O-acetyltransferase (ATSERAT3;2) mRNA, complete cds

AATAGCAATAAACGAGGAGCTCGATCACAACGCCGCATGGGCGCAAAGTTTTCTCTGCCACTCAGCGCCAC  
CAGTTCCACTCACCCGTCTCCGTTTTTCTCCTTCTCTATGTTCTGACACTTCCTTCGAATTTGGCCCTTCACTCGC  
CCTTCTCCATGGCTTGCTGAGCGATCATAACTGGCCCGCCTCCCTCTCCAATCAACTCACTCGATCGTGTTC  
CGTCGAGGGGAGCAAGAACATGGCGCTCGACACTCCCGCTTTTTTCTCTGCGGATTCTATGAAATTTGAGATT  
CGAAAGGGTCTTCCCTGTTTATGCTATGGGATCTTCCAAGCCCTCCGCCCCACTCACTGCCGTGCTTCTGATT  
GGGTGACCCTATTTGGGATGCCGTGAGAGAGGAGGCTAAGTTGGATGCAGAGAAGGAGCCAATTTTAAGCA  
GCTTCTTGATGCCAGTATCTTGTCACACGATTGTTTGAGCAAGCATTGAGTTTTGTTCTTGCTAATCGGCTTC  
AGAATCCCACTCTCTTAGCTACTCAGTTGATGGATATATTTTGATGTTATGATGCATGATAGAAGTATTCAA  
CATTCCATTGCTTAGATCTGCAGGCCTTTAAAAACCGGGATCCTGCTTGTGTTGCTTACAGTTCAGCGCTTCTA  
TATCCTAAGGGTTACCATTCCCTTCAGGTACATAGAGTTGCACATACTTTGTGGAACCGAGGACGTATTGTGTT  
GGCCTTAGCACTACAAAGTCGAATTAGCGAGGTTTTTTGGTGTTGACATCCATCCTGCTGCAAAAACCTGGAGA  
TGGAATACTTTTGATCTGCAACAGGGGTTTTGTTATTGGTGAAACTGCTGT

>trans\_c\_3402 NM\_001074516|Oryza sativa Japonica Group Os11g0521900 (Os11g0521900)  
mRNA, complete cds

CTTGGAAGTGAAGGTGAATTGGGCTCTCTCACTGGCAGATTTCGTGGTTCATCCTGGGTGGGTGGAAGCGT  
CAGCTCTGCTTTACCGGAGGGCAACTGAGCAGGACTTTGCCATAAAACCATAACCCAATCGACCCACCCATCC  
ACCAGAAACCTTAACGCACACCTTTTGCCAAATTAAAACTGAAAGATTTAAATACAAGATGATATAACACAGA  
GAAGAAATGCAACACAACACGGTGGCTTTATACCCGGGTTTAGTTTTAGGAAAATCCTAAGACTATTAAGAGA  
AAGAGAGAGAGAGACATGTTAACTCCCATTTAACACGCCCTACGACAAGATGGTGTGGAAAGCAGCTCAAA  
GAGAGATTACACTGAAATTCTGTCCCGCATTTTTACCTGGGAGAGAGACTTTGGTAGATTTGAAATAATCGAC  
GGGTCAATGAAGAAGGAGGGAGGAGTAGGAGGAGAGTAATAGAGCGAGTGAGATAGAAAGGGAAAATGA  
GTAGGGAAAATTGTGAGTTCTCACATACGGCTCCAATTTTCACTGGCGGGGCCTCTTTACATTTTTCTTTTGCT  
TTAAGCTTTCAATTTTTCTGGTCTGGAATGGCGTGAGAGAACAAATTATAGGTTTTAATCTTTAATTCGTCTTGC  
TCGATTCAAATGAGATGGGAAGGAATGCAAATGCAAATGCAAGATAGGACTGATGATTTTGGGGTGGCAGAT  
TTGTATGTGTTTTAAGCTGCAAGTCAGGAAGGAGGAAATAAGGAGTTCGCTCAGAAGATTTGAGTACGGAA  
TGAGTAGGACAAGGCCAAAAGGATTCCTCCGATCACTTGATAAATGAGATCCACAATACTTGCAA

>trans\_c\_3403 NM\_129322|Arabidopsis thaliana binding / catalytic/ coenzyme binding  
(AT2G37660) mRNA, complete cds

ATCAATGCCATAAATGTTCTTTCTAGCCAATTCTAATTCAATCCCATCTTCATCTCTTCAAATCCTTCGCTCTTC  
CATTTCCACCACCTCCCACAAGGGTTTCAGAAGGCGTCGATTTCTGCTCTTTCGGTGGTTGCAATGGCGGATT  
CTGCTCCCCCACCCTCCTCGTCACCGGAGCTGGTGGTAGAACCGGTCAAATAGTTTACAAGAAATTGAAGGA  
GAGATCAGATCAGTATGCTGCAAGAGGTTTGGTTAGAACTGAAGAGAGCAAGCAGAGTATCGGTGGAGCAG  
ATGATCTTTTTGTTGGTGATATAAGGGATGCAGATAGCCTTGGTCCTGCAATTCAAGGCATTGATGCTCTCATC  
ATTCTTACGAGTGCACTGCCAAAGATGAAGCCAGGCTTTGATCCTACCAAAGGTGGCAGACCTGAGTTTTACT  
TTGAAGATGGAGCATATCCTGAACAGGTTGACTGGATTGGCCAGAAGAATCAGATTGATGCTGCCAAGGCAG  
CTGGAGTTAAACAAATAGTTTTGGTTGGCTCTATGGGTGGAACAAATATCAACCATCCCTTGAACAGTTTGGG  
TAATGGGAATATATTGGTTCGGAAAAGGAAGGCTGAGCAGTATTTGGCTGACTCCGGTATTCATACACCATT  
ATAAGGGCTGGAGGTCTGCAGGATAAGGATGGTGGGATCCGAGAACTGCTAGTCGGGAAGGACGATGAACT  
TCTTCAAACAGAGACGAGAACGATAGCCAGAGCCGATGTTGCCGAAGTCTGCATTCANGCACTACAATTTGA  
GGAGGCCAAATTCAGGCATTGATCTAGCCTCAAAGCCTGAGGGAGTAGGTACTCCGAACAAGG

>trans\_c\_3404 Novel Gene

AAAAGGAAAAGAGAGAAGGAATTAAGAGGGTGGATCACGGTTTTCGTTCGGCGCATCGTCTTCCTCATAAA  
CTCGATTTTCAGCTGTACGATTAGGGTTCCTTCTATTACCACCATAGCAGCCATGTTCCAGTTATCAATCCGTA  
ATTGTTTACGTCGCCTCCACCGTTCGATCGAAATGGGATCGTCGTCTCGACTTTCCCGTTATCTGTTTTCTTC  
ATTCTGTGTCGCAATCACCAGCGGGACTCTTATGATGTTCTATATGAAGGAGATTTACACGATTGGCCATGG  
GATCGAAACCGCCACTAAGTTAATGGGCTCAACACCACACGATCAGCTCCTGATTCTGACTTCCGATTCTGTTTT  
CCGGATTGCTCCTCTTCGCAATCGGTTTCCTTCTTTTCATGGTTGCGTTTGTCAAGGACAGGGAATTTCAAGGC  
TTTTTCGCCAAGGGGTGTACGGTGCTTCATGTCTCAATGGCGATGTGGAGATTCTACTTCGAGCGGAGGGTGG  
AGGATCTGGCTTGGGATTGGCTAAGGCAGATTGTTGGTGACATTCTTCTGCTCTATCTTGGGTCTTCTTTCTT  
GTTTATTCTGGAGAGAAAAATATGATTAGTTTTCCCAAGTAAATCGTCGAGTCTTTTGCTTTTGATTCCAAGTT  
ACAAATTGCATTGAGATTTTTCTGGGTTTGGGTATCTCTGTTTAAATTTGGGGAAAGAAAGCTACTGATTCAAA  
CATTCATATCGCAGAAAGGGGACAATCCATCCCACTTTCCCTTGTGTGTATGTCTTTTCTAATTTTTATTCTTG  
TCGATTGAAACACGTTTTTTTTCACTTTAAAAACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3405 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds,  
haplotype: S4

AGCCAAGGTTTATTAAATGAAAGTTGTTCTTCAGCTTTTCCTTGTCTCTGATATCATTTTTATTCTAGCACATTG  
CATTGTAAATCAAACTGGCTTTGCTTTACCCAAAAAGGATCTAGATTAACCATAAGTAGAGACTTTTGATACA  
TATATGTTTTAACTGATCTCGTGTGAATAAGCAAAAGGAAAATATTTACTAATTTCTTTTTGTGTCTGCATG  
TAATAATAGCCTTGGGAGGTTGGTACGCAAAACAATCCTGGCTTTTTCCCTCAGTCTCAAGAAGATGCCAGTTT  
GAATTCCTTGGTACAAAACAATGGTGTGACTTACGAAAACGATAACGCTTCAGTGCCTTGGTGGCAGAAAAG  
AAATATTAATACTACAGAGATTGATAATAATGAGTTGAAAGTAGGCTCTTCCAATGGTCTCTCTGCTGAGAAA  
CCCGCTCAACGTGCTTGGGTTCTCCTCAACCGCCTCTGTTGCATTGCCAGAAGCAGCTGAAGCCATCCGAAG  
GCCAAAACCAACTATTCAGAAAGAGCAGTTTACTGATGAACAGTTAGCAACACAACCAATGTAACCGATGAG  
TTGCAGAAGGCCACAAAAATTTCTGAAGCTGGGGGAGCAGTCGATTATGAGAAGTTGGGATTGAGCTCTAGT  
GAGATACAAGTGGAAGATAATGGTACCGGAGGACAATGAGATGGCACTAAAGTATTATTAACACCACGTATG  
ATCTGGAGGTATAGTTTCATGAACTTTTCTTCTAAATTCATAGAAATAGATGTATGAACGCTACCTCATTTC  
TGAAACATGTTTGCGTATTTTATTGAATATCCTGAACAAATACTCTGCTCTATTG

>trans\_c\_3406 AY864064|Triticum aestivum gamma-glutamylcysteine synthetase (GSH1) mRNA, complete cds

ATACCACGATCTTTTTCTTCTCTTCTTTCATCACAAAATCTCCAAATGGTATCATCTAAACTGCAGCCCTAG  
CTCCCACCATTGTACGTGCGGACGACTCCAACCTCCCACCGTCGCACGTGCGGTGGCTTTAACTCCGTCCATCGCT  
GTAAGTTCGTGACTCCATCCGTGACCCACATCTGCCGACGTGACTCCGCCCTGTCTCGTTCTAACTCCCTCCA  
CCGCCGCAAGATTTTATGGCAGGAAAGCTCCCACTAGTTCCTAGAGAACCTCCTACCCTAACTGATTAGGAAA  
ATCATTTGACTACAATATTTCCAGAGGTATTCTACACTTGATTTACTCCAACAATATGCTTGTTATGACCTGATT  
CTAGGATCTATTTTTCCCTCATTACTGAGGTGAAACTGAAGAGATATTTGAAGATGAGGGGTAGTGATGGAGG  
CCCTTGAGGAGATTATGTGCTTTCTTCCAGCATTTTAGGAAAGTTTCTGTTCACTGAAGTCATCATTGACTAGT  
ATTGAAGCACTTCAGTATGCTGAATATGAAAAACAAGTTTGTTCACTGCTGATGGATTGCAGACCCTAATGAA  
TAATCTTTATACATTTCTTTGGTGATGGAGACCATAATGGATATGTTAAAGAAGGATGGAAAAACTCTCGAA  
GTCTACGTAGCAATGCAAGTCGTGAGAATTGTACATTTTCAAGGGTGAAAGTGAGATTGTATAGCAAGTTTT  
GAACTTCATTTGTGTACTTGTAGTGTTACATTTCAAGAATTATGTCAATTAAGTTGTACAACCTTTCTTAGTCCT  
AAATTCCTAAATTACATTAGAACTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3407 NM\_101107|Arabidopsis thaliana ATCOAB (4-phospho-panto-thenoylcysteine synthetase); catalytic/ phosphopantothenate--cysteine ligase (ATCOAB) mRNA, complete cds

ATTCAGACTTCATACTGTGGTTTTAGATAGTGATTCTCTTTGAAGACCTTTCCAAATGGATGTAAACGGACTGC  
AGAAAGCGCAAGAGGCCCTAGATGCTGAAATCAAATCATTTTTTAATTCAGCTCCCCCTTTGAGGAATATTGA  
GGATATCGGCAAGATTTAAGAAAAATTTGTTGAATTTAATTCACCACAAGCTGGAAATCAAAGTGCCAGGAAA  
GTTGTTTGTGTGACATCTGGTGGCACCACAGTTCCTTTAGAGCAAAGATGTGTTTCGCTATATAGATAAATTGAG  
CTCAGGTCACAGAGGTGCAGCATCCACAGAGTACTTTCTGAAGGCTGGATATTCTGTTATCTTCTTATACCGAA  
AGGGAACCCGTCAACCATATTGCAGTTTGCTCCCTGATGATCCATTTCTGGAGTGTCTTGAGTTCACTCAGGAG  
TCGGGTATACAAGCGCGCCAGCCTTATTCGGAAGCAGTTAAGAATGCAATCAGTGAGCATCATGCTGCAATA  
GCAAATGGCACACTTCTGAAACTTCCTTTTACAACGATTTTTGAGTATCTTCAGATGTTGCACCTGGTTGCAATA  
TCAATGAGGAGTGTTGGACCCATGCACTCTTTTATCTTGCTGCAGCTATCTCTGACTTTTACGTTCCATGGGA  
GAGCATGGCAGAGCACAAGATTCAGTCAGGATCAGGGCCTTTAGACATGCGACTTGTTGAGGTGCCAAAGAT  
GCTATCAGGGCTGAGGAGTGAGTGGGCTCCAATGGCGTACTGTATATCCCTCAAGCTAGAGACTGACGTAAA  
AATCCTCTTGAGAAGGCAGATGCAGCTCTGAGAAAGTACAAGATGCATATGGTCATTG

>trans\_c\_3408 NM\_123560|Arabidopsis thaliana binding (AT5G41950) mRNA, complete cds

ACTTTGAAGTTTCAGTTTCGTTGATCTTCAATCTGCTCGTTTTCCGGATCCTTGCTCCATTCGCATTCTCTTCTG  
TTCGACACTTCACCATGTCGCCTACTCCCGAGGAACCTAATAATTTGCAGAACGGAATCGAAATCCAACCACAC  
ATTTATCAGAATCAGATCAAATTAGTGAACCCAGATCAGAGCTTGAAGAACCTACAGCAGATTCAATTCCCA  
GTTTCGGAATTACAACAAGAACGTGAATCGGAATCAGTTAGTAATGGAGTAGCAGATTTCGAGCCGGAGTCCC  
CAAGGAAACAGTTATCGGAGTCAATTCATTTACATGTAGTGACGGGTGTTACAGATCCGAGTGTTGAAGAGC  
ATAAAGAACTTCCACCCATTCAACGGCAACACGGAGAACTTGCAACCTGCGTTGCGTAAAGACGAAGGAA  
GCAGAACGTTTACAATGAGAGAGTTGTTGAATGGATTGAAAGGTGAAGATGGTAGCGACGGCCTTAATGAAT  
CTGAAGGCGAGAGGCCCGAGGGGAACTCCGGTCACAGCCTTAATCAAGATAGCCACATCAGCCTTATTCTG  
AACAGAGTAGAGCTGCCATGGAGTTGATCAACAGTATTACAGGTGTCGATGAAGAGGGCCGTTCTCGTCAAA  
GGATTCTCACATTTGCTGCTAGGAGGTATGCTAGTGCAATTGAGAGAAATGGTCAAGACTATGATGCTTTGTA  
CAATTGGGCTTTGGTCCTCCAGGAGAGTGACAGACAATGTTAGTCCAGATTCCACCTCGCCCTCTAAAGATGCG  
TTGCTTGAGGAGGCTTGTA AAAAGTACGATGAGGCCACCCATCTGTGCCCAACACTTCATGATGC



>trans\_c\_3409 NM\_129427|Arabidopsis thaliana MVD1 (MEVALONATE DIPHOSPHATE DECARBOXYLASE 1); diphosphomevalonate decarboxylase/ protein homodimerization (MVD1) mRNA, complete cds

CCCCACAGATCTCGCTTCTCTTCTCTCTGTAGATTCATTTCCAGCGTTTTCTGTTCTTTCCCCCCTCTTGAAATT  
CTTCCAATTCTTTGTCCTCTTTGATCGGCAAGCGTTGCTTCCATGGCGATTTCTAGAGAGTTGGCGGGTCAAAA  
ATGGGTGTTGTTGACCACTGCACAAACGCCACGAACATTGCGGTGATTAAGTATTGGGGAAAGAGGGACGA  
GGACTTAATTTTGCCTGTCAATGATAGCATTAGTGTTACGCTTGATCCGAGTCATCTTTGTACCATTACCACCGT  
TGCTGTTAGTCTGACTTTGAGAAGGATCGGATGTGGCTCAATCGCAAGGAGATATCCCTTTCTGGAGCCAGG  
TACCAAAATTGTTTGAGGGAAATACGCAGTCGAGCTAATGATGTTGAGGATAAAGAAAAGGGGATTAAGATA  
GCAAAAAAAGACTGGGAGAAGTTGCATGTATATATTGATTCATACAATAATTTCCCAACTGCGGCCGGCCTGG  
CTTCCTCTGCTGCCGGTCTTGCTTGTCTCGTCTTTGCTTTGGCAAATTTAATGAACGTCAAGGAAGATCACAGC  
CAGTTATCTGCTATTGCAAGGCAAGGTTCCGGAAAGTGCATGCCGTAGTTTATACGGTGGATTTGTGAAGTGGT  
GCATGGGAAAAGAAAAGGATGGAAGTGATAGTCTTGCAATTCAACTTGCGGATGAGAAGCACTGGGATGAT  
CTTGTAATTATAATTGCTGTGGTAAGTTCGCGACAAAAGGAAACAAGTAGTACATCAGGAATGCGGGAAACT  
GTAGAAACAAGTTTGCTTTTACAACATAGAGCTAAGGAAATTGTACCAAAAACGTGTGTT

>trans\_c\_3410 XM\_002876408|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata seven in absentia family protein, mRNA

TGGGGATTGGATTTGACATATCTATGACTGAAAGAACATCCATCATGCATATCGACCTCGTGATCATCCTTGAG  
ATGCATGACGAGGGATGGAATGTCACCAGTTACATGACATTCACCTCCAGCGTAAGGGCAGTTGTACGGCCG  
ATATTTACAATTCTTCTCATGTTTAAGCTTGCTGTAGTATGGGAACATGTCAATGCAACCTAGGTTTTGGTACAC  
ACAAGGAAGCTCGAGCGACTCGGCCACCTTTCCAGTGCTAGGCACCTTATGTTCCCAAGCTCATGCCGACAG  
GTAGGGCAGCAATTCTGAACCCTTGCTTGACAGCTTGAACAAAGAGTGTGGCCATTTGCACACTGGTAAATTG  
GAGGATGCATTAAATTCATGCAAACAGTACAATCAAGTAGCTCGTGACATCATTACGACTCCCAGCAAAGCC  
ACCAGTTGAAGCTTTCCTGAAAGTGACACCTTTGAACTCAGGACGAGAAGTTGCTGGTTGAGAATCTATCGAT  
GTAAGGTGCAACTCGGTCACCTTCTTGCAAGCTGGCTGCAGAAGAAGCATGTTCTTCCCTTGACTTCTGTTG  
CTGATACATCCCCTTCTCTGAATTCTATTATGGTACTCATACAATCATCTCCAGATGGAAAAAATTGAAGGGT  
ACGAGAGTGATCGACAAAAAACAGCAGAGGAAGGTGGAAGTGGCTGAAAAATGAGGTTTACGCCGCTGAA  
CAACCCAATAATTGCAGAAATGGTTGGCCCCAAAAGGAAATGGAAAGAGAAAGAAGAAGGAATGGGCGTGT  
GTCGGGCTTAGATTGGAACAACAAAAGGGTGAAGAGTCAAAGAAATTGGTTGAGCTTAGCTT

>trans\_c\_3411 NM\_180653|Arabidopsis thaliana ATP binding (AT1G79920) mRNA, complete cds

TCAGGAGAACAGTCCGTACAAATGGAGACAGATTCCAAGGTTGAAGCACCGAAGAAAAAGGTAAAGAAAAC  
CAACATACCGGTAGTGGAATTGATTTATGGTGGATTGGCAGCTGCTGATGTCCAAAAAGCGGTGGAAAAGGA  
GTTTGAAATGGCTTTACAGGATCGGGTGATGGAGGAGACCAAAGAGAAGAAAAATGCTGTTGAGGCATATG  
TGTATGAAATGAGAAACAAGTTGCACGATAAATACCAGGATTTGTCCTGAATCACAGAGAGAAGAGCTTTC  
TGGCAAACCTCAGGAGGTTGAAGATTGGTTGTATGAGGATGGGGAGGATGAAACAAAAGGAGTGACATTG  
CAAACTCGAGGAATTGAAGAAACAAGGTGACCCGATAGAGGAGCGTTACAAAGAGCATATGGAGAGAGGA  
AGTGTGATCGATCAACTTGTCTTACTGCATCAACAGTTACAGGGAAGCAGCAATGTCAGCTGATGCTAAATTTG  
ACCACATCGACATCTCGGAGAAACAGAAGGTCTTGAATGAGTGTGTGGAAGCTGAGGCCTGGTTAAGAGAG  
AAAAAGCAGCACCAAGACTCACTACCAACATGCTACACCAGCCCTCTATTCTGCTGATGTGAGAAAGAAAG  
CTGAAGCACTCGACAGGTTTTGTAGACCAATAATGACGAAACCGAAGCCAGCTGCTCCCGAGACACCTCCCC  
GGCTCTCAGGGCAGTGAGCAGCAACAGGGAGATGCCAGTGCTGCTTCTAATGCTAGTGCGAGCCCAACAG

GAAAGCAGGTGACGAAACCGAGGTATCCTCAGCCCCTACAGAGCCAATGGAGACGGAGAAACCCGAACATA  
CTA

>trans\_c\_3412 NM\_180495|Arabidopsis thaliana proteasome family protein (AT5G15610) mRNA,  
complete cds

TTTATAATTAAGAGCGTTGAGTTCACGCGATAAGCAAAACTAGGGTTTTTCGCAGCCTCGAGTGTAGACG  
ATAGGAAGAAAGAAGTTAGGGAGAGGTTCCACAATGGCCACCGTCGTCCAAACCTCCGAGGAAGATGCGGC  
CCTCACCGTCGTTGTTTTGCCTCTGAACTTGCTTGGGCTGACGCCGGTCCCGAGACTGCTGAGCCACAAGTTA  
ATAGACTCTGCGTTGAAGCCCAAGAATGTATGGTTATGGGAAGATGGTTGGATTGGCATCTCTAATGCTTAC  
TTCTGCTGACTTGATATTTTCAAAGTGTCTGAAAAAGATCTTGAGTGTGTATTACCATTATCTGTAATCTTGT  
AACAAAAGCTGGAAGTCCAGACGAATCACTTGAAATGGCAAAGCTTATATCTGCTAAGATCTGCCAACAAACCA  
AATGACAAGCCTGCACTTCGTTTAAAGATCTTGTTCAATCTGTACAACCTGCTTGAGAATCCATATAGCCGGTT  
CCATGTTTACATGAAGGCCCTGGATTGGCTTTAAGGGGAAGGCCCTGAACATATAATTCCAACATTGAAA  
AAAATCGAGAGTTTCTTGAGAGAGTGAATATTGGGATTGTAGAGCAGAGAGAAGTTTCTCGCCATCTCTA  
ATGTTTTGAAAGAAAGTAAGAGTTCTGCAATGATTATTTCAAGTTCCTTACCAAATATTTGGCCACATTCTCG  
GGTGAAGATGCAAGTACCTTGGGTGAAGCAAAGGAAGAAGCTATTCACGCAATTGTTGAATTTGTGAAGGCA  
CCAAACATGTTTAAAGTGTGATTGTTGGACATGCCTGCTGTAGGGCAACTGGAGAAGGAT

>trans\_c\_3413 BT024752|Arabidopsis thaliana At1g76185 mRNA, complete cds

TGGGGGGTGGAGGAGTAGTGAGAGAAGGTCCACGCAGCGCATTCCAACAAACAAACCCCCCTCAACCTGAA  
CCACAGCGAATTGAACGCCTCATGCTCTCTCAATTCCATTTACAATTCCTTGTTGATTCTTTGTCGCTGTT  
TTCGTTCTCCATTCTTCACTTCCCTCTTCCCTTGAGGCAAAGAAAAGAAGGTCTCGGGGTTGAGCTTCAG  
CCATGATTACTCGATCGAATCTGGTTGAGCAGTTGAGAGAATACCAGATTCGATCCAAACACGAGTGGGCTTC  
CGTCTCCTTCTTCTCCTCTACCTCTAATATTACATCCTCCAGGGTGGATGTAGTGATTTTTGTAATATGGGAACT  
TATAATACTATCGTTCTTGGTGTCTCGGCAGTTTCTTTATATTTTCGGCATATGCAGTTGGCTTTTATTTAGTA  
TGCATTACGATGTTGTTGCTTCTATGCATGAAAGTTACAAAGCAAGTGAGATTGGCTAGGAAGAAGAAAAGA  
AGGATGCTTCTTCCATTGTCCATGTGAAAATCTCATAGTAGAAGGAGAGTTATACTAAACCTTTTTTTCTTTT  
TTTTTTAATGTTCTAAATCCCTGAATTATATTACAAAAAATTAGATTTTGCTCTTTCTTTCCCACTACTCT  
TTATTATATCCTGATCTGTAATCACCAGGAAAGCAGGTTTATCCCTCCCAAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAGAAT  
GAGATGAATGTGATTAGTTTAGAAATTCATTTGTGAATGCTTTTTATCTGTGAGTTTGATCATCTTCCTGATT  
TACTGATTGTTTATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3414 Novel Gene

AACACCAAACGCACTTCCAACCCCTCATTTTCTCTCCCCTTAGCCTTATATTTTACTCTCAACTATCTTGCCTTCCA  
ATCAAGCATGAATGTGTACAGAGATCCGAACCTCTGTTACTTCCATCCCAAGAAAAAGTGGTGGGCGTCTGT  
GCTTTGTGCTTAAACGAGAAGCTTCTTATGTTGGCGCCAAGACGAGGCCGCTACCACCACTCTTACCCCGAAC  
CTGCCGGAAAACTCCCATCAACCTCTCCAAGATCTTTGCTTTTAGCTCTTTCATCAGTCGTCTCGAATTCGGCA  
TTGGAAGCCGGAAAACTCCGACGATGAAGCCTCCACCAGTCAAGAAGACTCGTTCATCTCAATCAACTTTGGG  
AAAAATGGAGTTGGGTGATGGGAAGAGAACAGGTCTCAGAGGTTTCCCTGGAAAATTGCATCCTGTGATGG  
AATCACCACCTTGACCAAGACTCCAAGGAGACCAAGACTGTGATAGAACACAGCAAGACCCGTGCCTCGCTTA  
GGTGGCGGAAGCGGATTGGACACCTCTCCAGCTCATCAGAAGGACAAGGTCCAACAAAGGAACAGTCTGCC  
ACGTGGAAGGAGTTAAGACAAGGAAAGGCTGGATAAGAACTCTGACAAGGTCAAGAAACACTGAATGGACA  
AAAGAGAGAATATCTATGCGTGGACTGGAAATTCAAATGTGATTTGTATAAAGATTTGAGTCAAATCAACTAC

TCATTTTTTTTGTCTTCTGATTTGAGCTCCTGCAGGTTAAAGAATTTACGAGTGTAATGAACTTCTGTAATGT  
GCTTGAAATATAATCTCTTCTTTTTTCTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3415 NM\_001070153|Oryza sativa Japonica Group Os09g0507800 (Os09g0507800)  
mRNA, complete cds

AGCTCTTCCCCGCCTTCTTAACACTCCCCTTCTCGTTCCTTCTTCTGCCAGTTTTACATCGCCCGTTGCAGCAG  
CGCCAAAAAATGGCACCGAAGAAGGCCGTTGGAAAAGTTTCGGCGAAGAAGAAGCCGGAGAAGGTGGTGA  
ATCCGCTATTTGAGAAGCGTCCAAAGCAGTTTGAATCGGTGGGGCTTTGCCGCCTAAGAGGGATCTCACAC  
GATTTGTCAAATGGCCCAAGGTTGTTCAAATTCAAAGAAAGAAGAGGATTCTGAAGCAGAGGCTCAAGGTTC  
CACCAGCTTTGAATCAGTTCACCAAGACCCTTGACAAGAATCTTGCAACAACTTGTTCAAGATGCTTTTGAAG  
TATAGGCCAGAGGATAAAACACAGAAAAGGGAGCGTCTTCTGAAAAGAGCTCAGGAAGAGGCTGAAGGAAA  
ATCACACGATGCCAAAAAGCCTATTGTTGTTAAATATGGTCTCAACCATGTTACCTACCTCATTGAGCAGAACA  
AGGCACAACCTGGTTGTGATTGCACACGATGTGGACCCAATTGAGTTGGTTGTATGGCTCCAGCTCTGTGCAG  
GAAGATGGAAATTCCATATTGCATTGTGAAGGGAAAAGCACGTTTGGGAGCGGTTGTCCACAAAAAGACTGC  
ATCAGTTTTGTGTTTAAACAACAGTGAAGAATGAAGATAAGATGGAGTTTAGCAGGATCTTGGAAGCCATTAAG  
GCTAATTTCAACGACAAGTACGACGAATACAGGAAGAAGTGGGGCGGTGGAATCATGGGATCAAAGTCTCA  
NGCAAAAACCAAGGCAAAGGAGAAATTACTGGCCAAAGAAGCTGCTCAAAGGATGTCTTAAGTAAAA

>trans\_c\_3416 NM\_120979|Arabidopsis thaliana ATTOC64-V (ARABIDOPSIS THALIANA  
TRANSLOCON AT THE OUTER MEMBRANE OF CHLOROPLASTS 64-V); amidase/ binding / carbon-  
nitrogen lig> (ATTOC64-V) mRNA, complete cds

TGAATTCAGTTNAAGTAGACCATGCCCAACCCGATGCAGAGTAGATGGATCACGAGCAAACCATCCAACAGT  
ATCCAAGCTCGGGGAATTCGACAAAACCTCTATTCATTGGTACAACCTCCATGTGAGGGCCGAAATGCAAGTATA  
CCACAAAAGGAAGCTGGAATTATGATGCAACCAACCGTATCAGTGCCAAGAGCAAAGTCAACAAGCTCTCCT  
GCAACAGCCACAGCAGACCCACTAGAAGAACCTCCAGGTACAAATGATGACAACCTTTGGATTGGTAGGAGTT  
CCATATTGCTTGTCTCCCCAGTAATCCCAAAACCCAGTTCATCCATAACAGTCTTCCCAACACAAGCAGCCCCA  
TTCTTGAGCAGAAGAGTTACCACCTCATCAGTCTTCTCAGCAACATCATGAGTTCTCTCCAGTCCGGATTGCC  
AAAACCCGTACATAGTCCTTCACGTCAAATACATCCTTGACGGCGAAAGTGAGGCCAGCGAGAGGCTGTCTG  
GCGGCAGGGGGCGGAGGCTGAGGGAAAGGTCGAAGCTCAAACGCTGGATGAAAGCACCAAAGTCCTCTCC  
CTGCAAAACTTTGCCATTTCTTCCCCTCCTTCGTGTCTCTGCTAAAATTACGACTCCAGCTACGCCGACCCCGAT  
CAGGATCCAGAGTTTCGGGTTAGAAGCATTGGCTTTCAAAGCTTTAGGGGGTTTGACATGAATCAGAATCAG  
AATCGAAATCGGAAGAGATTGACTGGGTTTGAGAATGAATGGTTGGAGGTTAGAAGACGATGAAGAAGTTG  
AGGGGTTTAAGGAAGGTTTTTGGAGACGATCATAAATGTGCGAAAGTCTAAAATAAAGGAATTT

>trans\_c\_3417 BT026111|Arabidopsis thaliana At1g14140 mRNA, complete cds

AATGAAAACAAGGGAAGAACATGGAAGCAACCCACAATCCCTACACCAAATTGTTGCTCACTGGCCTCTCCGC  
CATGGTGGCGGAGTCCGCCACCTTCCCCATAGACCTACTAAGACCAGGCTTCAGCTTCACGGCGAGCCTTCC  
TCTTCTCTCGCTCCACAAATGCCTTCAGACTCGCTTCAGCCATTGTCAAGGACCAAGGTCCTTTGCCCTCTAC  
AAAGGCTTGTCTCCGCGATTCTCAGGCACCTCTTCTATACGCCCATACGAATCGTTGGATACGAACACCTCCG  
ATCCCTCTTCTTGCCTCCGATGCTGGCTCTGTTTCCTTCATTCCAAGGCTCTTGTGCGTGGAATCTCCGGCTC  
CATTGCTCAGCATTTAGGTAGTGGCAAGTCCTGCTGATCTTGTTAAGGTGAGGATGCAAGCTGATGGGCGTC  
TAATAAGTCAAGGTCTGCAACCTAGATACTCAGGGCCTTTCGATGCCTTGACCAAAAATAGTGCGTGGAAGAAG  
GGTTGTTGGACTTTGGAAAGGGGTTGTTCCAAATGTTCAAAGAGCATTTTTGGTTAACATGGGAGAATTAGCC  
TGCTATGATCATGCTAAACGTTTTGTTATTCAGAATCAAATAGCTGGAGATAATTTTTTGGCCACACCTGTGC

TTCTGTAATTCGGGTCTGTGTGCAACTGCTTTGAGTTGTCCAGCCGATGTTGTAAAGACAAGAATGATGAATC  
AAGCTGCTAGCAAGGAAGGAATTACCAAGTACAACAGCTCTTATGATTGTCGTGTGAAGACTGTTAAAGTTGA  
AGGATTGAGAGCTTTGTGGGAGGGGTTTTTCTACTTGGGGCAGGCTTGGTCCT

>trans\_c\_3418 XM\_002882722|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal  
domain-containing protein, mRNA

AGAGGACAGCTTCTCAGCAGGAGATAAAGAAGGCATACTATAAGTTGGCACTTCGCCTGCATCCTGATAAAA  
ACCCTGGAGATGAGGAAGCAAAGGAGAAATTTGAGCAGTTGCAAAAGGTTATGTGATTCTTGGGTATGAGG  
AGAAGCGTGAGTTTATGATCAAAGTGGCTGTATTGATGATGCCGACCTTGCAAGGGGAAGTTGTTGAGAAATCT  
TCATGAATTTTTGAGAACCATGTACAAAAAGTCACTGAAGCTGATATTGAAGAATTTGAAGCAAATTACAGA  
GGCTCTGCGTCAGAGAAGAAAGATTTGATTGATTTGTTCAAGAAATTCAGGGTAATATGAACAGGCTGTTCT  
GCTCAATGCTTTGTTGAGATCCCAAGCTTGACTCACACCGGTTCAAGGACATTTTAGACGAGGCAATTACTGCT  
GGCGAGCTAAAATCAACGAAGTCTACGACAAATGGGCAAGGAAAATATCAGAAACGAAACACCGACCACT  
CCTTTGAGGAAGAGGGTGAAATCTAATAAAGAGTCAGAAACAGATCTCTATGCCGTAATATCTCAAAGACGA  
AATGAGAGGAAAGAACGATTTGATTCCATGTTCTCGTCTTTAGTATCTAAATATGGGGGAGGCGATGCCTCAG  
AACCGACCGAGGAAGAATTTGAAGCTGCCGAGAAGAAGTTAGAGGACCGAAAGTCTCCAAAAATCCAAGA  
GGAAGTAATTATCATCTTTGATAAAAAAAATATGCTTGATCAATCGTCAGGGCAATGGTTTTCCATGATGATG  
TTTTGCTTCATGAATGTACATGTCTCGGTTTGCTGTCTTCTTTATTTCCCTGCTTAATCTTCC

>trans\_c\_3419 BT014943|Arabidopsis thaliana At5g42330 gene, complete cds

AACGTAACCTATTACATATTTGACCACAAAATAGCATTCTTATCTCTCTTTCTCCCTTGCATTTCTACATCC  
AATGTCCAAGATGAGATCTGATCGCCGGCCCCCGCTTGCCAGATCGCCCTTGCCTCTCAGATCTCGTCGTGTAC  
CTCAATCCAATTCACAACATCGATTCAAACGCCCCCGGTTCTTTGACAAAATCTCAGAAAATGATCCGTCCTT  
CGGATCTGCAAGAATCGGAACCTCCGACCTGAGTATCGGACGATATCTTGCGAATTACGAGCTCTGGCAAGCAT  
GGTTAGGATGGAATTGGGATGTATAGAATCTGAAGGCAACGGAGTAGGCGATAAATTGAGCGTGAATTCGA  
GTTCTCTGTTTGAGCGAGGGAGGTTTTACGACGAGTACTCCGCCAGGAGGAACGAGAGGCTTAAGAAGAGA  
AAGAAAGCAGAAACCGTGCGGAGGTAAAGACTCCGTACAACCTCGGTGTGACGGTAGAATCTTCGAAACG  
GCAGAGTTCTAAGAAGCTTGTGAATAGCTTGAGGAAATCGGTTTCTGCAGCATATTCTGCGGAGCGGAGCGA  
GACAGCTCCAAGGTATTTGCTGCGTAGCATGATGAAGGAGAATAAGAAGCCTCCATTGCCGGTGAATTTAGA  
GAAATCAATGATTGGTGGAGGTGAAAGGAAAATGGTCACTCGAAGAGCCCGAAGAATCTGAAGAATTAGGG  
GTGAAAATCAGATCTTGGCGATCTTTATTTGGGATCTGATGGTTAAAGAAAGTTGATTATTAGTTTTCTTTAA  
ATATATGTTTGGATTGGATTGGGTAGGAATTGTGTGCCTAGTGTAATGTTGGGTTTGCTT

>trans\_c\_3420 AF515795|Pisum sativum Drm3 mRNA, complete cds

CTCCATACTCACTCCCGCAACTTTCTACGCCGTGTCGGGACTTCAACCTCCGCCCATTTCTTCTCTCTCTGAT  
TCGCAGTTCCTTATGGGCTTACTCGAACAGCTCTGGGACGATACCGTCGCCGGACCGCGGCCGAAAGTGCC  
CTCGGCAAGCTTCGGAACACTCAACGTCTTCTGGTCGACCTAGCTCCGGCAGCAAGGAGCTCGATGGTGGC  
AGCGCTAGATCATACGGAGAAGATTCTTCAGAATCGCCGGTGAGGATCACAAGAAGTATTATGATAGTAAGG  
CCTCCAGGATATCAGAACGGTTGCTCTCTATTTACCGGCCGGATCCAGTTCTCCGGCGTCTCCCTTTCTGGT  
AGAGAATCCTTCCGGTTTCGAAGAAGGTCGATCTCCGAGTTATACACAAAGACAACCGATGGCGGATCCGGG  
AGCCCTTCTCTCTCACAAATGTGAGATCTAAAGCTTTCTTGATCTCTTATATTCTCCCTCAGTGAATATT  
TCTTCACTTATGTAATTTTTGTGTACTGTAATATGCGGCTACTGTAGTATCTAAGTATGGCGATATGAAATTCA  
GAAAGGTAGTTTGTAGGAACAAAAAAGTCTTGTAAGGAAGGAGGAAGATGATCTTGAAAAATGTGTAGAG  
ATGATGAGGGGTATTATAGTCAAATTAGTACTAATATGTAAATATTCATATTTGAACTTTTAGGTAAGTCACT

GTTGTTGGTTTTGTTAGTGGAATGAGAAAGGGTAGTTCTTTCTTTTTGTATGTGGGCCTCTTCTCTTTTGTT  
GTGGATTGTCTTTCATTTCAATTGGACATTGCTTGATAAATGCAAAACAGCACTC

>trans\_c\_3421 NM\_129555|Arabidopsis thaliana peroxisomal membrane protein (PMP36)  
(AT2G39970) mRNA, complete cds

ATCTTCAAGCCGTTAGTCAGAATTTTCCCAGATATCAAACGCCATCGAAAATGTCAATATCATTTGGGTAGAAG  
TTAGAACAGAGGCAAAGTCGTACATGGATTTCTTCTCCGATTGAATTTGAGCTAGATCTCTTCTTTTCACGTC  
AATGCTCCGGTTCGGAGCATTTCCTCGGTGAACTAACACCGTTTTTCTTCTCTTTCTATCTTCCACATACCC  
CCTTTTTCTTCTTCTTCTTGTCTCTAATTGGGTTTTAGCTGGAAAGTATGTCGGACGCGTTGATCAATG  
GATTGGCCGGAGCTGGAGGAGGGATCATTGCTCAACTCATCACACCCCTCTCAGACTGTGAATACTCGTCA  
GCAAACAGAGCGCGATGTGAAGAAGGAGAAGAGAAAACCTTGAACATTTCAACAGATGTGTCAGGTTGTGA  
AACATGAAGGATGGGACCGGCTCTACGGTGGCTTGGGGCCGTCTCTGGTGGGTACGGCTGTATCTCAGGGCG  
TTTACTATCATTTCTACCAAATATTCAGGAACAAGTCTGAAGTTGCTTCACTTGAACGAATGAAGGCAGGGATT  
GGAGATGGATCTGTTGGGATGCTTCTCACTTCTGGTGGCTGCTATATCTGGGTTTGTGTCTAAATTGTTTTT  
AATTTTCTTATTATTACATATTCAAAAGAAACACCATCATTTAAACAAAAGAAAAGGGACAAAGGATGTACAA  
GAAAGTGAAGGTCCTAACCATATGATTTTTTTTTTAAAGGATTGGTGCAGAGATCTTAATTTCAAGAATAAAA  
ATACAAAAAAAAGTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3422 Novel Gene

GAGCCTCTAAACCAAATAGACTCTCTGTGTTACCCCTTTTCATCTCTTCTCCCTCGTTCGACATGTCGTT  
TCCTCCCTCAAGATGAACGATCGTTCGAGTCGTCGTTTTGCAAGTTTCGATTTCTCTAAATTCGTCGACAACAC  
ACCAAAAAGGAAAACAACGTTGGGTTTACTTTGATTTTTAGGAAATCAATTAATGGCTGGTAAGAAACAGAAA  
AACGACGATCTGTATGCCGTTTTGGGGTTGAAGAAGGAATGCTCTGAAGCCGAACCTAAAAATGCGTATAAG  
AAATTGGCTCTGAGATGGCATCCGGATCGGTGTTTCGGCTTCGGGAGATTCTGAAGTTCGTCGAAGAAGCTAAG  
AAGAAATTTCAAACAATCCAGCAAGCCTATTCGTTTTATCGGACGCGAACAAACGACTGTTGTATGACGTTG  
GAGTTTACGACAGTGATGATGATGACGACGACGGTATGGGAGACTTCTTGACTGAAATGGTTGCCATGATGG  
ATCAAACTACGCCTAACGAAAATGGAGAAGAAAGCTTCGAGAAATTGCAGGAAGTGTCCAAGAAATGTTCA  
ACGACGACATGGACGGTCTCGGACCAAACCTCCCCGCCAGCTATTTCTCGTCCACGTCGTCATCCTCTTCTCCT  
CCTCGTCTGACTCCGGATGTTCCACTTCCAGCAACAAGCGAAACTCGTCGGATATGAACAACCTTCAACTCTTT  
CAAGCTCATCAGTGCACAACCTTTCCATGGGGAGAGGAGGAGGAAGAGAAGGGAGCAGGGGGAGGA  
ATTGGGCGAGGAAACGGTAGAAGGAAAAAACAAAAGGGCAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3423 XM\_002312683|Populus trichocarpa histidine phosphotransfer protein, mRNA

AATCCAAATCCACTCTCTTCAAGAACCTGCTTCAACTCTGCTTCTTCTTCCACCTCCGCCAATACAAAAATAAA  
ACCCACTTCATATTTCTCATTCTTCACTAAATCCCTGTCTTCAGAACTTCATTTCTAAGATCTCTGTTGTCTCTA  
CTTCAACCCCAACTTTTTTGAATCACACCCTTCTGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTAGCTCGTAATAATGG  
AGGTAGGATTGATGCGAAGACAGTGGATTCAGTATATAGAAGGCTTAATCCATGAGGGTACTCTGGATGGTC  
AGTATTTGCAGCTTTTGCAACTGCAAGATGAGAGTAATCCAACCTTTGTTTCTGAAGTGGAGACTCTTTCTTT  
GAAGATACCGAGGAACCTTCTAATAAACTGAGAATCGCTATATCACAGCCACCTGTGGACTTCAAAAAGATTG  
ATGACCACGTACACCAGCTGAAGGGCAGCAGTTCCAGCATAGGTGCACTCAGAGTGAAAAATGCCTGTATTG  
ACTTCGGAGCGCCTGCGAGCAACAGAGTCCCGACTGGTGTTCAGATGCCTGCAACAAGTAGAGCAAGAAT  
TCTATGGTGTGAAGGAGAAGCTCAGTTATCTATATGCACAGCTGGAAAAACGGATTTTGAATGCTGGTGGATC  
CATTCCCGCAGACTTGAGTTTCTAACTGACAGAATCCATGGAAACCAAGATTTACCGTTCGTTCTGTGGAGT

CTTCTTCCTTTTGTTCCTAGGTTCTTAAATTGACTGTTACTTGTGCTTGTACAAATTCAAAACCTTTGCCTTTTTCT  
ACTCAGAACGTCATTGTTTTCTACAGCTGATTNCGACTTTCAAATCTTC

>trans\_c\_3424 XM\_002314503|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ATTCTCAACGCGTTCCTTAACCAAACCTCAGACCAACTTTTATCATCTTCCATTGCTTAATTCTTTAGACTTTTAGT  
TTCCCTTGTTCATATGGAAGTTATGGGGGGCTAACTGGCAAGTTCTATGGCATTGACCGGTATTTTGACAAT  
GCATAGAGGAAGAGATAACCCATAAAAAGTTGCAGAACATCACTCATAACGGCAATATCTAGTAAACAAAAACG  
TGAATTTGTTATGGACTTTGAATCAGACTGGACAAGACACGTTAAGTCTTCTGCGTTTGCTGCTCCAGTGATCC  
GTTCTGCAACTTCGTTTATGCGTTGGTCTTGCAAGTCCCAATTAGTGAAGGATATCAGGAATTTCTTTAATTG  
AAGTCAGTCCAAGATAAGTTATTACACTATTCGAGCGATACTGTTGAAGAAAAACAGTCATCGTTGTACGATA  
TTTAATTGGTTACTTTATTTGGATAATGCCTGGATTCAATTTCTGGAAAGAAGAGGCTCACAGAACCAAAGATGT  
GCATCATCAACACTGTTAAACAGAATTCAATCTGTCTTTCAAAAAGCGATACTGGATTTCAATCTCAGTATGATT  
ATGAGTCTCTCCTTCTGGCTTACCTGATGATGTAGCAAACTGTGTCTTGCCCTTGTTCTCGTTCTAGCCATC  
CATCCATGGCTGGTGTAGCAAGAATTGGAGGTCATTCATTAAAGGCAAGGAATTCATAACTGAGAGGAAAT  
TAGCTGGTGCAGTTGAGGAGTGGCTGTACTTCTTAACATATGGATACTGTAAGGAAGGAATGCCACTGGGAAG  
TGTTTGATTGTGTGGAACATAAGTTTCGAGTGCTTCCACCATGCCTGGAGCAGT

>trans\_c\_3425 NM\_112023|Arabidopsis thaliana ANT1 (AROMATIC AND NEUTRAL TRANSPORTER  
1); amino acid transmembrane transporter/ aromatic amino acid transmembrane transporter>  
(ANT1) mRNA, complete cds

AGTTCTGGAATCGTTAGCCAAAAATGGAGCTACCCACCGATACTATGGAGATTCCTCTCCTCAATTCTTCTTCA  
CGAACCACTTCCACTTTTCAAGCTCTTGCAACATCATCGTCTCCGTCGTCGGCACC GGCGTCTTAGGCTTGCCT  
TTTGCTTTCAGAATCGCCGGTTATGCTGCCGGATCCTTCGGCGTCCTACTCGTCGCCCTAGCTACCTACTATTGT  
ATGCTCCTTCTGGTGAAGTGTAGGGAGAAATTGACGTTACAAGGACGATCCAACGAATCAAAAACATATGGC  
GATTTGGGATACATATGCATGGGTAACAAAGGTCGATACCTTACGGAGTTTCTCATTTTCTTTGCTCAATGCGG  
AGGCTCGGTGGCATACTGGTGTATTGGTCAAAACCTTTTATCTGTATTCCAAGGTCATGGCATCCCATTAT  
CATCCTATATATTTTATAGCAGCAGTTGAAGTTGTGTAGTCATGGATTGGAAGTCTAGCTGCTTTAGCACCC  
TTCAGTATCTTTGCCGATATTTGTAATGCAATAGCAATGGGAATAGTGGTGAAGGAAGATATACAAAAGCCA  
TAGCTGGTGAATTTCTTTAATGAAAGAACAGCAATTACATCGAATTTGCGAGGTTTGCCATTTGCCGGAGG  
GATGGCAGTGTTCTGTTTTGAAAGATTTGGCATGACATTAGCTTTGCAGTCCTCTATGAAAGACAAGGCTGCA  
TTCCCAAAGTTCTTGGTCAGGCTCTTGTGGAATAACCATTGTGTACATTTTATTTGGATTCTCTGGATACATG  
GCTTATGGTGATGATACCAGAGATATTATCACTTTGAATCTCCCAATACTTG

>trans\_c\_3426 AY804128|Crithopsis delileana HMW glutenin subunit (Glu) gene, Glu-Kx allele,  
complete cds

GTGTATGGACAAGCCCATCGTTATGGCCAAACCCCTCCACCAAGCACGAAGCAATCGCAAGACAAGCCCACTT  
GGACTGCACGCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCAAGCAAAACCCATCCAAGAATGTCAATTTGACATCCC  
GCTCTACTCCTTGCCCGACGTAGGGGGCCCGCATTCCATCGATTTTGACCAAACCCCTCCACCAAGCAAGAAG  
CAATCACAAGACATCTCGTATCTTCACGAACAAACCCGCTTGGAGTGCACGCCACACCGAGGTGCAAGCATT  
GTCCGCGCAAGCCCATCCAAGCATCAACTCGACACCCACTCTCACTCCCCGCCAACGGTCGGACGTGGCACT  
CCGACGAAACCCATCCACCAAGCAAAAAGCAATCACAAGACATCTCGTATCTTCACGAACAAGCCCGCTTGA  
GTGCACGCCACACCGAGGTGCAAGCATCGTAACACCGCGCAAGCCCATCCGAGCATCAACTCGACACCCGCT  
CTCACTCCCTGCCCGACGGACAAGCCCATCGTTATGGCCAAACCCCTCCGCCAAGCACGAAGCAATCGCCAAG  
ACAAGCACACTTGGAGTGCACGCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCAAGCAAAACCCATCCAAGAATGTC

AATTTGACATCCCGCTCTCACTCCTTGCCCGACGGTCGGATGTGGCACTCCGGCCGAACCCTTCGTCCACCAAG  
CACAAAGCAATCGCAAGTTATCTCGTATCCTCACGAACAAGCCCGCTTGGAGTGCACGCCCACACCGAGGTGC  
AAGCATTGTCCGCGCAAGCCCATCCGAGCATCAACTCGACACCCGCTCTCACTCCCTACTC

>trans\_c\_3427 BT015479|Arabidopsis thaliana At1g62780 mRNA sequence

ACGGATAATGCTGCAAATTACAGATTGAGACGACGAGGACCCAAAGCCAGTGGTTCACAATTCCCACCTTTCA  
TCAATGGCCGCTCTTAGCTTCGGCTTTACCGCCACCACCATCCACCTACCATCAACTTCCATTGCTCTCGTCCC  
ATTCCCCAGACCATAACCTGCATCGCATGGGCAACAGAAGGCCTCTTCGGAAAGCCTCAGACCGGTACATCG  
CTCGAAATGAGTTCAAGAGGAGGCTGGAGAAAGACGCCGAAGCTCGCGAGGCTTTCGAGCGCCACGTTAGG  
GAAGAGAAAGAGCGCCGTAAAGCGCTTCGAGAGTCTCGTGTAATTCGGACAATGTGACTGGCCTTATCGAG  
TATTTTCTTGATACTGAAGCTCAGGATATTGAATTTGAAATCGCGAGGTTGAGACCCAGGCTGAATGAGGAGT  
TTTTTTCACATGTAAACTTGAGCTGGGTGAGCTTAGATTGCCGTTAACAAAACCGAGGCCATGGAAGATAG  
AGTGATCGAGTTGGAAGCATTACAGAAAGCCCTTGAAGAAGGAATAGAAGCATATGATAAAATGCAAAGGG  
AACTAGTAAAGGCAAGGGAAGGTTTAACCAAATATTAACATCAAAGGATGTAAAAGCTACATTGCTAGACA  
TGGTAGAGCGAAACGAGCTCAATAGATCGTACTCGCCCTTCTCGACGAAAACATAGCCAATGCACAAATGG  
GCAACCAGAAACAAGCTGCTGCTTTCATGGAAAAGGTTGAGGGGCCGTTCTCAAGTACATTACAGCTTAATA  
TTATTGAGGTACAGATTTTGAATATTTTCAGTTTCTTCTCAACAATCATATGAAGGGGAACACGTT

>trans\_c\_3428 NM\_001058901|Oryza sativa Japonica Group Os04g0281900 (Os04g0281900)  
mRNA, complete cds

ACTTTCCACAGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTGTTTTTTAAAGATAAAGAAAAAAGATTATTTTCCATAT  
GGACAACAAATACACCAATAATAATCCTCCCGGGCTGAGCTCCTCCGACGACAGCCTCGCCGCCACCGGCATG  
AGGGCCGCCGATACCTTGCTCCGCCTTGTTCCGATGGGGCTCTGCATCGCTGCGCTTATTGTGATGCTGAAGA  
ACTCTGAGGCGAACGATTATGGCTCTGTCGCTTATTCCGACCTCGGAGCTTTCAAGTTTTTGGTGCATGCAAAT  
GGGATATGTGCTGGCTACTCCTTTTTGTGCGCGGCGGTGGCTGCCATGTCTCCTCCTTCTACCATTCTAAAGC  
TTGGACTCTCTTCTTCTCGATCAGTTATTGACGTACCTAACCTAGCGGCGGGGACGGTATCGACGGAGGTG  
TTGTACCTAGCCTACAATGGAGACACAGAAATAACATGGAGTGCAGCCTGTGGGACATTTGGGAAATTTGCA  
GCAAAGCTACAGCTTCAGTTGTGATAACCTTTATTGTGGTAGCTTTTTATGCTTTCATTTCCATTTTATCTTCATA  
CAAAGTGTAGTAGATACAATGCTCCATTGCCTCATCCTAATTCCAAGCAACAGCTTCAAATGCCAGTCTTCCA  
TGGTTAGATTTTACCCTTAACCTAAATTTATCTATTTGCTTTTCTTGCTAGGCTTTCTTTATACTCTCTCCCTCTT  
GATCATCATCTACTACGGTGCAATTGTATAAACTGTTGTTAAGAACTTTTAAGGTTTTCAATAATAATCATCACT  
TTGGTTTTTGTGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3429 NM\_115340|Arabidopsis thaliana amino acid transporter family protein  
(AT3G54830) mRNA, complete cds

GCACCTCTCGCATATTAGAACGTGCACCGCGGATCGAGATGACGATTGACCCGTGGTGCCAAAGGCTGCCT  
GGCCAATGTCTGGGTAAGTATCGAGCTCTGGTCTACTTTCCATGCAGTCACGGAGGAGGAGTCCAGTGTAGTA  
ACAGACCACAGCAAATATTAACAAAATGGAAAGTCCAAGCCATCCTCCCTCTTTCGCTGCATAAGGCGTCGTT  
AGTATTCCAACCCACATAGCACATTTCCACCATTGAGCATGGCTTGACTAAATGAGCTTCGACGAGCAGTGG  
GAAACTCGTGTGGAACCTTGGAAAGGTTTGTATCCTTTTTTATGCATGATGGTCGCCTTGAAGTGAAAGGGAG  
AATGAGAGAGTGAGAGCTTAGTCGCTGCGATAGCGGTGGCAGCGGTTGCTGCTCGTCTTTGTTCTCGTCAGTC  
ACTGTAGCAAGCAGCGGTTTTGATGTTGAAGTTAAGTGTCTGGAGTATGCCTTCTTGTTAAGGAGGAGGATA  
GAAATGAGCTTCCCCATCTTGTTAAAGATGATGTCCCTAATATCCCGATGTTAGGTGATGGCACACTGCCAAGC  
ATATCCATCGACTGTCTGTAACCTTTGTGGCCAAGTAGTAGTGTACGAATCAGGCTTGCTTCGTCTCTGATTCT

>trans\_c\_3430 DQ056433|Lycopersicon esculentum AC13 (AC13) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3431 XM\_002888375|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata enoyl-CoA hydratase/isomerase family protein, mRNA

>trans\_c\_3432 NM\_120726|Arabidopsis thaliana thioredoxin-related (AT5G06430) mRNA,  
complete cds

AACTCAGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGAAGAAAAGAGAAAAGAAAGGAGAATGGAGGCAGAAAAG  
CCATCTCCAGAGCTCGCCTTGCTTTTTAGCTGTTGCCATTTTACATCCTTCTCTTTGGTTCTACGTATTACCC  
AAAGGAATTCGAAGTTGCATCTCTTTTCTCAATGTGTGAAATTTCTGTGAGCTAGTTTTCTTCTATTGTAGGCG  
AAGCATCTTGAACCTCTGTCGGCCTCTCACTCACCATTCTGAGTACCCAGCTTCTGGAAGCTCAACGAGGGGT  
AAAGTGATAGTTTTTACTTTTAGATTAGAAGGAAAGAGGAAAAGGGAATATAATGGGTTCAACACCCAAACA  
GCCTTTATTTTGCTTCAAATGGCCATGGGACGTAGACTCGGAAAACCGTTCAGACTGTTGTTTTGAGGGTCCTT  
GGTTGTTCAAATCGTTGCAAATGTGGGTGGCTTTGCTTTCAATTTTGTAATAAAGTTTCAAATCATCGCCT  
TCATGGATGACTTTTAAGCCATTGCAATTCAACCCCTTAAGTGGTGAAATAAGATATCTCAGTCTAGAAAGAT  
GTTAACTCCTGAAGAGCAGGGGGGAAGCAGAAAATAGGGCATTGGCAGCAGCATTAGCCAGTGGGAAAGAAG



CCACCGTGATCGAGTTTTACTCGCCCAAATGTCTCCTTTGCAATTCCTTGCTTAATATTGTTATGGAGATAGAAG  
CAAGGAATTCAGATTGGCTTAATATTGTGATGGCAGATGCGGAGAACGATAAATGGCTGCCTGAGGTGTTCA  
ACTCACCTCTTACCTCACATTTATATGTCAACCGTGGCTTTAGGAATTTCTAGTAATT

>trans\_c\_3433 Novel Gene

ATCATAGGTCATATTCTCGATCCAGCTCACCGTATAGGAGGTGGAGCCGCGACAGGTCATACTCACCTTATGA  
TTACTATTCCCCTGATCCTTACTACAGAAGGCACAGGTACAGGTACAGTTTCTCGGAGCCTTCGCCAAAGTCAA  
GGAACGGCAGGCATTACTCCCGAAGTTACTCTCCTAAGCCCAGGAGAAGAACGTTGAGAACTACTCTCATAG  
CCCCTCCCGGGAATCGAGGAGAAGTTATTCACGTAGTATTTCCCCTGAACGAAGCAGGAGATCAGGAAGTAG  
TGTCTATTCATCCAGTATTTCTCCTGAACGAGGCAGAAGCTTAAGGAGTCGCTCTTGACGCCATACCCCAAGAC  
GACACGAGAGCACACGTAAGAGAGGGTATTCTAGTAGGAGTCGATCAAGAAGTCAAAGTGTAAGTCAAGAT  
CTGTTAGTCCGGCTTGATTTACTGAACTGCTTCCCCTCTGCTACATTCTCATGGTGATGTACGTTTGGAGCTTTT  
AATGCGAATCAATCAGCTGCAGATGTAAACAATATTTCCCCTTGCTTAGATGCCTTCACGTTTGAGACGAAAT  
GGTGGGTTGTGGAATAATCTATTTCTGGTTTCATGGCTTACGAGGGGAAACGAAGAAATGTCAACAGGGAAT  
TTTATACGCTTTCAACTGATGTTTGCTTTAATTCTGTTGGGTTACTTTGTTAATGAGGGGTGTGAATGTTTTGG  
TTCAATTTGTCATTTTGATTTCCAACCTCGATTTGGGTTGGATGTTGTGCCTTATCTCTTATATGAACATGAAAAG  
ATAACGTACATTTGTGGTTTGCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3434 NM\_179991|Arabidopsis thaliana integral membrane Yip1 family protein  
(AT2G39805) mRNA, complete cds

ATCAAACATTAGGGCTCAAACCCATAGAATTCCTTCTCACTCAATCGCTCATCCATTCCTAACTTCGATGAATTT  
CTGATCTCAGTTAGCAATTTCACTTTTCTCTTCTCTTTCGGTGTTCCCCCTTTTCTCCTTTTGGCGTTTCATTGTT  
TCCTCCATGGATGAAACATACACAAATCTTCTACTAGCCATTTGCTTGGCTCAGTCCCTGCTGTAATCAATGAA  
GAGATTGAGAAAAGCGGTACAGAGCATGAAACACCAGAAGCAAGTATGCAGACATTTCCCCCACTAATGGA  
GGGGACAGAGGGAGAGGTTATCGAACTCTTGAAACCCCAAGTGATTCTCAGCAGCAACCATCAAATGACTGG  
AAGGGGGTGTTTAGTGTATCGTCTTACAGTCAATATTTCAATGTGGATACAGACATCGTCATGAATAGATTGA  
TTAGTTCCTTGTATCCCGTTGGTGGAGATTTTTCTAGCAAGATCGATGCAAACCCTGATTTATATGGGCTTGTG  
TGGATCACCCTACGTTGGTATTTGTACTTGCGGCACTTGGAACCTGTGCAACCTTCCTCATGCAAAAGCGAA  
GTGCTCAAGGTGCTGCATGGAGTTTTGATGTCAGCTATATGAATGTGGCTGCTGGGTCTGTTTATGGTTATGC  
GATCGTGGTGCCCATGGCATTCTTCTTCACTTCAATACTTGGGGTCAAATCTAGCCTCATAAGGTTTTGGT  
GCTTGTGGGGATACTCTCTTTTCATTTTATTTTGGCATCTTTTCTGTTGCTCATTCCGGTTGAAATTCTGCGGTG  
GGTCATTATACTCCTTCTGGTGCTGCCTACCAAGTTTGTTTCCTTGA

>trans\_c\_3435 Novel Gene

CAATTGAGTCGGGATCTGTTGATTTGCAGAATTTGAGCCTCAACTCGTGTATTAATAATTTTGTACTTAATTAG  
CTTATCTTTTATGATGTTTCAGTATGAATGAGTGTAATCTGTTGTTATGTAATGTTTGTAATAATATCATCACAA  
ACATGTAATGAATTGGTCTTAGTTAATGAGCCTCCTTTTTCTGCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTAATAACCCCCAACCCAGGGGGGGGGCC  
CCGCCCCCATTTCCCCAAAAAAGGAAAAAAAAACCCCCCCCCCGGGCCCTTTTTTAAAAACCCGGGGGGGG  
AAAAAACCCGGGGTTACCCCAAAAAAACCTTTGAAAAAACCCCCCTTTCCCCCGGGGGAATAAAAAAAAA  
AAACCCCCCCCCCAATCCCCCCCCCAAAATTTCCCCCCCCAAAAAGGAAAAAGGAACCCCCCTAAACCCCCA  
AAAAAACCGGGGGGGGGGGGGGTTTACCCCAAGGGAACCCCAAAATTTTGGGCCCCCCAAACCCCCCTT  
TTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTCCCCATTTTCCGGGTTTTCCCCAAAAATTAATAAGGGGGGGCCCTTTTTG

GGTCCAAAATTTTGTTCCTTTCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAAGGGGGGGGTTCCCAAGGGGGGGC  
CCCCCCCCAAAAAAGTTTTTCCCCCTTTTAAATGGAGACCCCCCTTTTAAAAA

>trans\_c\_3436 AY108944|Zea mays PCO070889 mRNA sequence

ATTTTGGATGATTGTTCTTTGATGCTCTCACAGACCAAGCCGAAGGGGGAGAAAATTCAAGCCCAGTGGTA  
TTGAACATTCAAAACACCAATTCGCCCAGCAATTTGTGCTCCGAATTCGCTTCCCTTTCATCGATCTTCCTTCCT  
CATTTTCAACAATGATCCGGTTCATACTTTGCAGAACAGGCAGGGCAAAACCCGTCTCGCTAAGTATTATGTT  
CCTCTTGAGGAATCCGAGAAGCACAAGGTCGAGTATGAGGTTTCATCGATTGGTGGTTAATAGAGATCCCAAG  
TTCACAAATTCGTCGAGTTCGAACACACAAGGTCATCTATAGAAGATATGCAGGATTATTTTTCTCTCTTTGT  
GTGGACATAACAGACAACGAGTTGGCCTACCTCGAGTGTATTCAATTTGTTGTGGAGATTCTGGATCATTTCTT  
CAGCAATGTGTGTGAGCTCGACTTGGTTTTTAATTTTCACAAGGTCTATCTGATACTTGATGAATTTATTCTTGC  
GGGAGAACTCCAAGAAACAAGCAAAAAGGCGATAATTGAAAGAATGGGGGAACTGGAAAAGCTGGAGTGA  
AGATAGTACACATTAGAGAGCTAAGACTGCAATTTATTTTTCTGCGCCGAATTTATTGTGTTGATGATTTGAGT  
TTACTTTGTCCCCCTCCCCCCCCAGTATAGTTGTCCGTGTGATCTTGTGCCACAAATAGAACAAAGAAAA  
GTTGAACAAAATTTGAGGTCCCTGCATCTCTCTTGCATAGTTTTTGAACATTTCAGAACAGAAACCGTCTATAA  
ATAGTGAAATCTACAGAATCCATTATTGTTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3437 AY058190|Arabidopsis thaliana At1g68600/F24J5\_14 mRNA, complete cds

TATGTATATTACCATTTGGGCAGGGGAGGATCTACACAAATTGGTTGTGAAAAATTTCAAAAATGTTGCTTCT  
TCTTTGGAAGGCGTTGTTAATGAATACCTCCAGTGTGTGGAATATGAGAGAGTCTCCTCGAAAATTCTTACATA  
TCAGGCTTCCGACGACCCTGTATATAATGCTTATAGATCGGCTGTGCAGTCCTCGAGCCAGGAGGACAGCTTG  
TTGGACTTTGCCTCCTGGGAACCACCACATGGTCCTTACAAGACATTCAATTATCCATGGTATAACTATGTCAA  
AGTGAGTGGTGCTCTTAGGCATTGTGCATTTATGGTTATGGCCATGCATGGGTGTATTCTTTCAGAAATCCAG  
GCTCCACCAGAGAAGAGAAAAGGTTTTTCAAAGGAGCTTCTGAGGGTTGGCACTGAGGGAGCTAAATCTTA  
CGTGCGCTTGGAAGTAAAGTAGAAAGGATGGAGAAATTGAGCTCAAATGACATGCTTTTTGATGTTTCATGAT  
GCTGCAGAACTTTACAAATGAAGATCGACGAGAAATCTGATATGCTGGTCCATTGAGCTAGTTGGAGAACTG  
GAAAACAGCACAGGGACAATGAAGATCCTCAACATTTTGTGGATGCAAAAGATGATCATAACAAACAGTTGG  
TAATTGAATCCCTGAACGAGACTTGGATGCTCAACACTCGAGCATTGGCATCCACCCTCCCATGACAGAATGG  
GTATCCACAGATAGTGTCTTTAACAAAAACCTGGTTTCATGGCCACTTCTTCGTTTTTATGATGGACACCGTGCCC  
TATGAACGTGAGGCCAAAGTATATGAAAGTGCAAGCTCCTGTCTTTGGNCACATTTGC

>trans\_c\_3438 Novel Gene

AAAAGAAGAAACCCTAAATCCTATTCCCTCCTATCTTCCTTTGCCGCCGCCACACACCTATCTTTGTCATTTTGT  
TTCACCTTCACCTTCTTCTCCATATACCACCTCTTCTACACCCTACGCCGAAAAATCCCTCCGTCGCATTCCC  
AGGCCGCCACCCTCATCGGCAACGCCGTTTCTTCTTTTCTCCCTCTTACCCTCTCTGCTGCAGCCTCGCCGG  
CACCCACTACTGCGCAAACTTCTCTACTCGTCTCCAAGGTCATGGCAGATTCAAACCTCTCCTGGTTCGTTCCAA  
CCTCCTCCTGTTACCCCATTTCCAATTCTTATTGATGGGGCAGATCGTGATCGAGCACTTGCTTCTTCTATGGTC  
TGTTCTCGTCGAGAAGTGCTTGAGCGCCGGTCCCGAAGAGCGAAACAGCTTTGTGCAATCTTCAAGGAACTGT  
ACTGGTTTTTTGTTGGAGGAACTCAAGCGCAAATACAGGGAGTATTATTGGACATATGGCAAGAGTCCGTTTTAA  
GGAGGACGAGAAGGAGGCTGAAGGCATTGGCGATTATCCAGAGGGTATTGGGGAGAATGGAAAGCTAGGA  
TTGGGTTCTTCGACTGGGAGCGATGAGATTAGAAGGTGTGATGTCACAGGTTGCAAGGCGAAGGCGATGGC  
ATTGACAAAATACTGTGTCATGCTCATATCCTCTCGGATAAAAAGCAGAGGCTCTACAAGGGTTGCACCTTTGTG  
ATCAAGAGTATGCAGTCAGGGCCGCTTCTATGTTTGAAGCCTGTTTTAAGATCAACTGTTCCCTGCTATTGTTG  
AGGTCATCTACAAAAAGGCGAAAAGGGTTTAGCTCGAGATTTAAGAAAAGCAG

>trans\_c\_3439 X74947|M.sativa mRNA for annexin

TGAAATCAATTTGCACTCAAATCTGATCTTATGAACAAAGACACTCTCACAGTTCAAGAGCACAAACAAGGAA  
TCGATTAGTGGCAATGTCGAGCATCAAAGTTCCTGACCATCTTCCTTCTCCTGCCGAAGACTGCGAACAGCTTC  
GCAAAGCTTTCCAAGGATGGGGAACCAACGAGGACTTGATCATATCCATTTTGGCCCATAGAAATGCGGCTCA  
AAGAAGTTTAATTCGGAATAACTATGCCGAGACATATGGTGAAGATCTTCTTAAAGAGCTAGAAAAGGAACTT  
TCGAGTGATTTTGAGAGGATTGTACTTCTGTGGACATTGGAACCTGCAGATCGTGATGCATTTATGGTCAACG  
AAGCAACAAAGAGGTTAACCTCCAACAATTTGGTTCCTGTGGAAGTTGCTTGCACTCGAAAATCAATCGAATT  
ATTCAAGGTGAGGCAGGCGTATCAAGTCCGTTTTAAGAGATCTCTTGAAGAAGATGTCGCATATCATACTTCT  
GGAGATATCCGCAAGCTTTTGGTTCCTCTGATAACCTCACTTCGATACGAGGGAGATGAGGTGAGCAAAACCT  
TAGCAAAATCAGAAGCTAAAATACTCCATGAGAAGATAGCAGACAAGGAATTCAATCATGATGAAGTAATTA  
GAATTCTGACCACAAGGAGCAAAAGCACAACTTACTTGCAACATTGAATCACTACAATAACGACTACGGCAATGC  
CATAACAAGTGTTATCAAACAGCTGAGCTAAGGGCCACTATGTCAAATGAATGTGCATGTTTTTCAGGATTTG  
AAGGATGATCCAAATGATGAGTACCTGAAGTTACTGAGAACAACCATCAAGTCTCTTACCT

>trans\_c\_3440 BT011863|Arabidopsis thaliana At1g13360 mRNA sequence

GTCTCACGTTCTTTATCGCGTCTATCCGTCGAAACTTAAACAAACTCATTACAAAATAAAAGATAAAGAAAAA  
AAAAGAAAGAAACCCTAATTCTTTCTCTCTCTCTCTCTCTTTTTTTTTATTTTTGATGGAGAATCAAAATTCCA  
AGAAGCGGGATCGGGACGACTCGGCCGAGTCAGAAACCGTTCCGCCGAGGTGAAGCGGCTCAGAGACGAC  
CTTCTAGGTTTCTTCGACGAATCCGATCCTGAACCAGCCACTCAGGATCTCGATTCTTGATGAGAAGCTTCGA  
GGAAGAAATCGCTACCGCATCATCTTCTCCGGTGCCGGTGGTTGATTGACGGCGGATTCCGGTGAGTCTCAA  
CCGGAGTTAGGTTACCTCTTGGAAGCCTCCGACGATGAGCTCGGTCTGCCGCCTTCCAATAGCCAAGAGGAAT  
TTGCTCGAATATCGACTGATTTCGTCTGACATCGGTGAGATGTGGAGTTTGAGGATCAGATCCCGAACTACGA  
CGTTTTCGAACTCGAAGGCGGAGATGTATACAGTGGCAGTGATACGGCGGAGTATGTGGCGTTTCGATGGGCT  
GTTGGAGTATTCGAATCTGTGCTTGATTTCGTGGATAACTCCGATTTTCTTTGGCGGCAAGAATCTCTGCCGG  
CGCAGTAGGTAGAAACGTCGATCTGTAAATGTTTTGGTTTAGATTTGTTGGTGCGTAGGACTAGATTGATAC  
AGATGATGCTGATGAATATAGGAATTGGTTCGTTTTTCTTCTTTCAAGTTCGAATACACATGATTTTCATATAG  
TGGAATTCTAATCTTTCTTTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3441 X56948|Pumpkin mRNA for malate synthase

AGAGACGATCCGAAGGCAAATGAGGTAGCACTTGAGCTAGTGAGGAAGGACAACTGAGGGAGGTAAAGG  
CAGGGCATGATGGAACATGGGCAGCACATCCTGGACTAATCCCGCTTGATGGAAGTCTTCTCCAACAACAT  
GGGGAATGCCCCAACCAAATTCAATCCATGAGACGTGACGATGCTGCAAACCTTGACTGAAGAAGATCTCTTA  
CAACGACCAAGAGGTGTACGTACAATGGAAGGGCTTCGCTTGAACACCCGAGTTGGGATTACGTACCTAGCC  
GCATGGCTAACCGGGGCTGGCTCTGTGCCTCTATAACCTTATGGAAGATGCAGCAACAGCAGAAATTAGC  
AGGGTTCAAACTGGCAATGGCTGAAGTATGGAGTGGAATTGGATGGAGACGGGCTTGGTGTGAGAGTGAA  
CAAGGAACTGTTTGGGAGAGTTGTGGAAGAAGAAATGGAAAGGATTGAAAGAGAAGTTGGGAAAGAGAGA  
TTCAAAAAGGAATGTACAAAGAAGCTTGCAAGATGTTCAAGGCAATGCACAGCCCCAAATTTGGATGATT  
TTCTGACCTTAGACGCTTACAACCTATATTGTGATACATCATCAAGGGAATTGTCCAAGCTTTGAAAAGTGAAA  
ACCACCACCAAAACACTTGCTTTTGCTTACATTCTTCTTGTGCTGAGAATAACGTATTGTAATGTAAGTCTT  
TGTTTGTCCATTTCTTTTCAAGCTGTGTGGTTATTTCAAGAAATCCAGCAATTGCAAGCAAATTGGGATTTCGG  
TACTTCTCTATATATAAACCTATATTTTCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3442 AY124826|Arabidopsis thaliana At1g68440/T2E12\_1 mRNA, complete cds

CTCTCTCTCTCTCTCTCGCCATCCCAATTCTTTCCACCAAAACCTAACACACAAAAGCTTCTTCTCTCTCTC  
GCTCGCTCTCTCTCTTTCTCTGTCATTTTTTTCATCCGAATATTCCCCATCTCAATTCCGATTCTTGATTTTTGTT  
GCCATCGCTTGATTTTTGTGTCTCGTCTGTTAAATCTGTGGTCTTTTTTCGTGCTGGTCTACCAAAACCCACTGAG  
GTGGAGATAGATGGAAATTCCTGTCATTAACAGGGTTAGAGGGTTGGAAGCCGGGATGAGATCCTGGCCAA  
ATCCCACTCTCTTACCCCAAATTTGACATCCCCATCTGGATTTCAAACCATTTCTCGTTCTCTAGATCTCTGGAA  
ATGGAGCGCTGTGATTATCGCCGCTGTTGCTACATTACGCGGCGGAATCAACCGGATTAAGCTTTTGTGTA  
ATATTCCGACGTCAGAAACGTATTCTGCAGGAAATTGTTTATGATTCTGACTCCGATAGCGAGTACTCTGTGCA  
CGATTCTGCTACCTCTGTTTCATCGGTTTGGTCGGAGTTTGAAGATGACGATGCCGATGAGCCCGCCTCCTCGT  
CTCCCTTAGTTGGGACTTGACTGACCGGGATTTTACGTTAGAGGCTCCGATTACTACTTGAACGATGACAAA  
ACAAAACGAACTCTGAGACTTCGGCATAGACGGAGCTTCACAACCAAGACGGAGAAGACGAACAGTTCTCA  
TGGGCCGATTTACCGGAGGTAAAAGCGTCGTGGAGTTATGGGGACATCTCAGAATCGAATTGATCACTATC  
ACTCCGACACGAATGAAATCCGAGTCCACGATGTAATCAAAGAGCAA

>trans\_c\_3443 AY104216|Zea mays PCO109946 mRNA sequence

TTTTTCCCATTGACAGCTACAGGAAGTCCTGAGACAACTTCAATCTCAACGTATTCGGGTTGGTTCGGTGCAT  
CCTCGGGATCAACGGATAGCATGAACATGTCTTTCTTTGGCTCATTAGCAGGATCTTCCAAAACGTCACCCCTCA  
TGACTAAGGTGCCAAATATTCCGGTCTCGGCTGTATATCGATTTCTTCGTGACTGGGACTGGCAGTTATGTCT  
CTTGGCATATTCAATGGCATCTTCTCTTCTGTAATGTCCATTCTCTCCAGGGAGCTATAACACGTAGTTTGGG  
GTTTACAGAGCAAAGAATGTGAGCTCAAACCGTACCTGATCATTTCCCTTCCCTGTACAACCATGAGCAACAGCAT  
CAGCTCCAACCTTCTTTGGCAACATCGACCATGGCCTTGGCGATGACAGGACGAGCCATGGAAGTTCCAAGCAA  
GTATTTCTTTTATAAATGGCACCAGCTCGCAAGCAGGGAAACACGTAGTCTTCCACAAATTCATCCCTAAGT  
CCTTCACAACAAGTTGACAAGCTCCACTCGCTTTCGCCTTTGCTTCAAACCATCCAATTCCATCACTCCTTGCCC  
AACGTCAGCAGTGAAGCAAACCACTCGCACCCATATTTCTCTCGCAACCATGGTACGATAACCGATGTGTCC  
AAGCCGCCGCTATAAGCTAAAACAACCTTTGTTCAATCTAGCGGGCATCACACCGTTGGTATAAGCAACGCTAA  
CTTCTCCCATCTCTGTAATAACGTCAATGAATCCTTGAATTCCGAATTGAAAGGGCAGCAGAGATTAAGGAAG  
AAGATGATGGAGAAGAAAGAGGAAGCTTGAGAGAAGCTTTTCGCCGGAAG

>trans\_c\_3444 FJ866625|Citrus maxima 20S proteasome beta subunit 5 mRNA, partial cds

ATTTCTCTCAATTCAGTTATTTTCTCAGAACTTCATACTAAGAAGAACAGTTGTAGTTTTGTGAATCACCATGAT  
CCGGCATGACCTTAATTTGGAGCATATAAAAAACAATGGTAGCCAACTAATTAGGACATTAAATTAATTT  
GTGGAGTCTTATGGATACAAAACGGCTCTGCCGACATTTGGTAATAAATATTTTATTTTAGAAGGAAAAAAA  
TTGTTAATTGATATAGTGACAATTGCACTTAGGTAGCAAGTACAAGCTTGTTTAGGATGGTTTGAAATTGTTAA  
AATAAATTGTCATGTCATGTTGAGAATCATTTTAACACTCTAAAACCTAAAAGTGGATGGATTCAACACCCCTTC  
TCCTGCAATACCGTTCCACGTAGAAATAGCAGAAAGCCACCAATTAGAATTAGTTAGAAGCTCATCTGGTTATT  
GTGATTTTTTCTTGGGCTTGAATGGCATAATTCTTTCTTCTGTCAATTCTAATTTAACACTTTGCCTTTTCTCTAC  
CTTTTCTTCCCTCATCTCTAATCAATAGCCCATCTATCCATCTTCTTCGATCTATGTATATATATCAATTGATGTTG  
TATGACAAAGCAGATATCGGTATGATTTGTCTGTTGAAGAAGCTGCCGAAGTGGCTAGACGAGCTATTTATCA  
TGCAACTTTCCGAGATGGTGCCAGTGGTGGAGTTGCTAGCGTTTATTACGTGGGACCAAATGGATGGAAAAA  
GCTTTCTGGCGATGACGTAGGAGAACTTATTACAATACTATCCCGTGACACCAACTACAGTCGATCAGGAA  
ATGACTGAAGTAACTGCCGCTTGATGATTGGATATGAGTCTAGATCCT

>trans\_c\_3445 XM\_002876654|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NPL4 family protein, mRNA

AAACAAGAAATTCGCAGAAGATCATACATACCCTTCAAATTTCTCTCTAAATTTCCGGCAGCATTTTCTGAATCC  
CAACGTCGACTGGCAGTAGCTGTTTGTCCCTCAAATCTGTCTCTAAATAACGATCAATCTCCTCTTCTCATACA

AATTCACATTACAACCTCTGCCGGCACCAATATGATGCTCAGAATTCGCAGTAGAGATGGTCTGGAGCGAGTC  
GCTGTGGAGAACCCACACATCACAATCGCTCAACTCAAAGCAATAATTCATCCCAGCTCAAAATCCCAATCCA  
CAACCAAAACCTTTCCGCTAACCAAAATATTCTATTGGCAAAGACTCAGGATGATCTTTCCAAATTCAGTACA  
TGTCTAATCCTAATACCTACCTCTCCTCGCTTAATTTGTCCCATGGGTCTATTGTCTTTCTCGCTACGAGGGCG  
AGCGCACTGTTGCTGGGCTACTGTCCATCCCGCCGATCTTTGGCCGTAAAATGACTATGGATGATCTAATT  
GCTAAGCAGATGCGGATCACTCGTCAAGAAAACCCGCACTGTGAATTGGTTTCTTTGACCGGGATTGCGCCA  
ATGCTTTCCAGCATTATGTTAATGAAACGCTAGCCTTCGCTGTCAAACGTGGGGGGATGATGTACGGAACCGT  
GTCACCAGAAGGCAAGGTGAGGTAGATTTTCATATATGAGCCGCCACAGCAAGGGACTGAGGATAATTTACT  
GTTTTTCCGAGATCACGATGAGGAAAGATTGGTGGAAGCAATCGCAGTTGGGTTGGGAATGAGGNAAAGTG  
GGTTTATATTCACGCAGACGATAAGTCAGGACAAAAAGGACTACACCTTATCCA

>trans\_c\_3446 Novel Gene

CTCTGATTTTCGTCTTCTTCAAAATACACAATACCGAATCTCTCTCCATTGAAAATTTTCTTCCATTTTCAACAA  
TGGTTTCGATTCTTCCCCGCTTTTTCAGCTCCTAGTACTCATTGGATTTCTTTCTTCTAGATCGGAATCTCTTCGATT  
CGACTTGCAGTCCGGCCATACCAAATGCATCTCTGAGGACATTAAGCAGAACGCCATGACCGTCGGCAAGTAT  
CACGTTGTTAATCCCAACGAAGGCCAGCCCTTACTGATGAACGCAAGCTCATTGTTGGGGTGACTTCGGCTA  
CTGGGAATACCTATCACTATTCCGACAAGGTGGAATCGGGGCAGTTTGGGTTTGTGCTGCGGAGGCGGGTG  
ATTTTCATGGCCTGTTTTTGGGCTCCTGATCACCAGCCTCAGGTCACATTATCGGTGGATTTCGATTGGAGGACG  
GGGGTGGCTGCTAAGGATTGGTCCAATGTTGCCAAGAAGGGCTCTGTGCAAGTTATGGAATTGGAGCTGCAG  
AAGTTGTTTGAAACCGCCAATTCTATTCAAGAAGAGATGTATTATCTCCGTGAAAGGGAGGAAGAGATGCAA  
GATCTGAACAGAAGTACAAACACAAAGATGGCATGGTTGAGTTTGCTCTCCCTTTTTGTTTGCTTATCAGTGGT  
GGGATTGCAAATATGGCACTTGAAGACCTTTTTTAGAAAAAAAAAGCTCATTGATTTTCTTTACTCGAACAA  
AGTGATCTCTTTTATCTTGTAACATCATAACCAAATGAGCCTCTTCTCAGTGCAAATTAGTTATTGGTTTTC  
ATATTGAGATACACTTAGGGATAAGAACTATAGTCTCTCTAAATCAACTTT

>trans\_c\_3447 NM\_103884|Arabidopsis thaliana CLPR1; serine-type endopeptidase (CLPR1) mRNA, complete cds

AACGGCGAGTGATCTCGACCGGAGAAAACTCGGACCTCTAAAATCTATAGGGAGAATCCGTCCAAGCTTCTC  
TCCATGGCGACTTCTTCACTCTTCCATCTTTCTGCTCCACCGTCGTTAGCCATCGACAGCTCAAAGTCGTCTTTCC  
TCTGTGGTACTCAGCTGCCTTTACCTTCTCTCGTTTGAGAACTTCATGTCGCAGATATGTCCTATCTCCCTCCG  
CCCAACAATCCATGGACCACATTCCTAAGCAGTTTAGAGGAGAAAAATCTCAAAGATGGATTGATTGAGAACTA  
CAAGAATGCTCCTAAATATCTTTATGGCCTTACACCTTCACAAATGGACATGTTTCATGACAGAAGATAATCCTG  
TGCGGCGACAGTCAGAATTAGTTACTGAGCAAAACATATCATCTTCTACAACCTACTTGAATCATGGAGGAAT  
GTGGAGTCTAACTGGCATGGATGGGAAGGGTCCCGCGAAATATAGTATGAGCGTTAGCATGTATCGTGGGG  
GAGGAAGAGCAGCTGGACGACCTCGAAATGCTCCTCTGATTTGCCCTCTTGCTCTTAGATGCTCGTATAGTC  
TATTTGGGCATGCCTATTGTACCGGCAGTGACTGAGCTTCTTGTTGCTCAGTTTATGTGGCTTGATTATGACAA  
CCCTTCGAAGCCCATATATCTCTACATAAACTCTCTGGGACTCAGAATGAGAAGATGGAGACGGTTGGATCT  
GAAACTGAAGCATATGCTCTTGGAGATATGATGTCTTACTGCAAATCGGATGTTTATACCGTTAACGTTGGGA  
TGGCATTCCGTCAAGCGGCAATGCTTTGTCACTGAACCAAGGGTTACCGTGCT

>trans\_c\_3448 NM\_112942|Arabidopsis thaliana PAP18 (PURPLE ACID PHOSPHATASE 18); acid phosphatase/ protein serine/threonine phosphatase (PAP18) mRNA, complete cds

AAAGCAAGCGAACGAACCTCGCGTGAAAAATGGGAGCGAATCTAATGCTCTTCATCTTCTCTTCTTTCAATCA  
TCTCCAGTTTCAGAGCTGATTATGTACGTCCTCAGCCACGTCAAACCTCTGCATTTTCCACGGAATCCGAAATCAT

CTTCTCAACCCACCAGGTTACATCTCCCTGGCAGGAGACAAGCATATGAGAGTCACATGGATTACCAAAGT  
TCATTCTGCTCCATCTTATGTTGAATATTGAACATCGCCAGGAGAATATACCTCTGTTTCTCAAGGAGAGAGCA  
CCTCGTATAGTTATATTTTCTACAAGTCAGGAAAAGATTCACCATACAGTAATTGGGCCTCTAAAGGCTGGCACT  
CTTTATTATTACAGATGTGGAGGAGAAGGTTCTGAGTTCCAGCTGAAGACACCTCCTCCCAGTTCCCAATTAC  
TTTTTCAGTGGCAGGAGATCTGGGTCAAACCTGGATGGACTAAATCAACATTGGAACACATTGATCTGTGCAAA  
TATGATGTACATCTGCTTCCAGGTGACCTGTCCTATGCTGATTACTTGCAGTACCGGTGGGACACTTTTGGTGA  
GCTTGTGGAGCCGCTTGCAAGTACAAGGCCGTGGATGGTAACTCAAGGGAACCATGAAAAGGAGGACTTATT  
GATATTCAAGGCTCCATTGACTCCTATAATGCAAGATGGAAGATGCCATTTGAGGAGAGTGGATCAAGTTCA  
AATCTCTATTATTCATTTGAAGTTGCTGGAACCTCATGTGATTATGCTTGGATCGTACACTGATTATGATGAGTCC  
TCAGATCAATATGCATGGTTGAAGGCTGATCTCGCAGAAAGTGGACAGGGGAA

>trans\_c\_3449 NM\_001067706|Oryza sativa Japonica Group Os08g0191600 (Os08g0191600)  
mRNA, complete cds

ACTCCTTTCTTGCCGATTAATCACTCAAATACTGAATTTCCCAACCCCTTTTATGATCTTCTCTTTGGGCGAGTA  
TACCATTACCAACCCACCTTCGCCTTTCTTCGCTTTTGATTATACTTTTGCTATATACCCAATACCCAATTCTTTCT  
GGGGTTCTAACGTTTCGTTTCTTGAAAATTTTCAGCCACCAATCGATCATAGCGTGAAATTTCTAATTTCTTC  
CATGGCCAGAAGTTCTGTTCAAACCTTGAATTCCTCTGGAAAAGAGGCAGGCTGAAGCTGCTCGTATAAGAGA  
GAAGTACCCGGATAGAATACCTGTGATTGTCGAGAAAGCTGGGAGGAGTGACATTGCTGACATTGATAGGAA  
CAAATACCTCGTCCCTACGGATTAACTGTTGGACAGTTTGTTTACGTTGTTTCGGAACGGATTAAGCTTAGTG  
CTGAGAAAAGCTATATTTGTTTTGTGAAGGACACTCTACCATCAACTGGTGCATTGATGTCTGCAATTTATGCG  
GATAATAAGGACGAAGATGGTTTTCTTTACATGTCATACAGTGGAGAAAACACTTTTGGTGGGTTCTTGAG  
GACAATGACACATTTGCCTGTAAATTCTAGTTATGCTCTTCCGGATCAATCAAAGCATCAACTTTATATTTTATT  
CTATTCTAGTATATTTAACTTTCTATCAAAGGTGGTGTCTCAAGGAGTGGCCTTGAATGTTTTCTTTTTTTTTT  
CCCTCTCTCAATTGAGCTGTGATGGAATAGCTATTCGCATCTTTTTAGTTGTTTATATCAAGCAGTGAAATGATT  
AAAAATTTCTGATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3450 DQ988169|Brassica napus photosystem I P700 apoprotein A2-like (psaB) gene,  
complete sequence; and photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

TTTGCGCAGAGTTCTATTACTATTAATGGGTGGCTTCGCGATTTCTTATGGGCACAGGCATCCCAGGTAATTCA  
GTCTTATGGTTCTTCATTATCTGCATATGGCCTGTTTTCTAGGTGCTCACCCACGCAAATCCCCGACCCGGC  
ACCTCGCCTGTATTTATGTTGGCAAGAACTTAACTTAGGAATCCCGATTTTGGGCTCATAATAAATTAAG  
TTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTGTCCAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTG  
GGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCCTTCTAGCAAGAATTATTGCAGTCGGATAATGGCTAGGAGGATTTG  
AAAGGCATTATGGCACTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTG  
GTTTGGTATTGCTACCGCGCATGACTTCGAAAGTCATGATGATTAATGAAGAACGTCTTTATCAGAATATTT  
TTGCTTCTCATTTGGGCAATTAGCAATAATTTTCTGTGGACTTCCGGAAATCTTTTCATGTAGCTTGGCAAG  
GAAATTTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCACGGGTGGATCCTCATTTT  
GGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTTTACTCGAGGTGGTGTCTTGGCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTTTA  
TCAGTGGTGGTATACAATCGGTTTACGCACTAATGGGGATCTTTATACTGGAGCTTTTTTCTATTATTTCTTTC  
TGCGATATCTTTAATAGCGGGTACCCCGCGCTCTGTTGAGAGAGATT

>trans\_c\_3451 NM\_112438|Arabidopsis thaliana zinc finger (Ran-binding) family protein  
(AT3G15680) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3452 NM\_128211|Arabidopsis thaliana HEMD; uroporphyrinogen-III synthase (HEMD)  
mRNA, complete cds

>trans c 3453 Novel Gene

>trans\_c\_3454 NM\_001083993|Arabidopsis thaliana galactosyltransferase family protein (AT1G05170) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3455 AJ010505|Arabidopsis thaliana mRNA for cysteine synthase

>trans\_c\_3456\_BT012148|Arabidopsis thaliana At2g15730 mRNA, complete cds

>trans c 3457 XM 002866672|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MAPKKK19, mRNA

CCTTAATGGCCGTTAAATCCTCTGAACTTGTTTGCTCTTCTCGCTCAAGAACGAGAAGCAAATTTGGATCTTC  
TTGGTGATGATTGCCACAAATTATTCGGTGTTTCGGGGAGAGTTGTAGTGTCGAGAACGGCGAGGAGCTTT



>trans\_c\_3458 BT008508|Arabidopsis thaliana At4g31080 gene, complete cds

>trans\_c\_3459 NM\_116716|Arabidopsis thaliana MED21 (MEDIATOR 21) (MED21) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3460 FJ014475|Camellia sinensis zinc finger protein LSD2-like protein mRNA, complete cds

AGAAGTTAGGGAGCCAAAGCGCGGGACGCCGTTGTCCATGGAACAACAACATGACCGATTCTTAAGGCGAC  
AGATCGAGAGAATGGATGTCCATGAAATCGAGAAAGACGAAGATGACGGCCCTCCTCCTGGATGGGAACCCA

TCACTCCATCCTTGCTCTACCGCCGAGCCGCAACTTTCTCCAGCTGACATGGCACAAATGGTCTGTGGTACA  
TGCCGTGCGCTGCTTAAGTATTTAAAGGGAGCCAGATATGTTCAATGCTCTTGGTGTTCACAGTTAACTTTGT  
GTTAGAAGCTCACGAGGTTGGACAAGTTAAATGCGGTTCTGTGCGGTGTTGCTTATGTACCCATATGGAGCA  
TCATCAGTTAGATGTTCTTCGTGTACCAGTGTGACAGAAATTGGGGTTCATAATAGACGGCCACCGTGGTCTG  
TTCAGCAGGGACAAGCAGCCCCCTCTACCAACTTTGTTCAATAGATTTTGTCTTCTGAGTTTCATTTAGGAAAA  
GATGTTCCATTTTCTGAGTTTTTCTTTCCGTTGCAGCCTTAATCAGCAGGCAGAGAAAGAAAAGAGAAAACTA  
TCAATCATTAGTGCCACTTTTATTTCTTATTATTAGCTATTGAGTTTATGTAAAGAACTTAGGAACCTCACCTTC  
TTAACTTCCAACATTTTTTTTTTATCTTAAGTTTTTGACTTGTGACTTGACTTGTTGCTTTGTGTTTCATTTTTTA  
ATGCTGCTGATTGGAGCCCTTATTAGTTGCTGCCAATCTCTGGGGTGTACTTAATTGTAATTTGTAAATGGTAT  
GAATCTTTTTTATTGACAAAAA

>trans\_c\_3461 AY107900|Zea mays PCO093526 mRNA sequence

ATCCTCACCTTTCCGATTTTCGGCGAGCGTTGAGTTCGACACTCTCCCTCTCTCCGGTCAGCTTCGGAGGAA  
GAAAAA

>trans\_c\_3462 EF672636|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 10 (FLA10)  
mRNA, complete cds

AACGATGTTTTGCCTACGGAAGACGCACTCAACGCATTTCTCCCAAGTACAAGAATCTCACGGCGGCGCAT  
AAAGTATCGTTGCTATTGTACCACGGTATGCCGATTTACTTGTGCTGCAGATGCTGAAATCGAACAACGGCG  
TCGTGAACACGTTAGCGACAGACGGCGGCCAAGTACGATTTGTCATCAAGACCGACGGCGAGGACGTCA  
TGGTAAAGACGAAGGTTGTGACGTCGACGGTGACAGCGACGCTGATAGATTCGGAGCCGTTGATAGTGTATG  
AGGTCGATAAGGTATTGCAGCCGAAGGAGCTTTTCAAGGCAGTACCGGAGGAGGAGGAGGCTCCAGCG  
CCGAAATCATCGCCGAAGAAGAAGAAGACAAAGGCACCATCGCCTAAGGCATCGGACGGAGAGGAGGCCGA  
GGATGCCGACTCGCCGATTGGGTCGGATGAGTCGGACGGGGAGCCGGCGGATCAGACATCAGAAAAGGATG  
GAGCGTTGGGAAGGAACGGAGAGAGATCAATGGCGGTGGTGATGATGTTGAGTTTGTGGTTGGGTGTTTTG  
CTCGTATGATTTTTATGATGGAATGGAGGGGTGGCGTTATATTAGAGGTCCGTTTTATTCATAGAGCAAAATA  
AAGAAAAAGTCCCACTTTGATTTTGGATTTTTATTTTTGAGAGTGTGCGGTGATGTTTTTCATTTTTATTTTTT  
GGATGGTGTACAGTCACTTTAAATATAAAATTGGGTTGTATTTCTAAGTGATTTGGCTTCATTTTTTCCCCCA  
TTTTCAAAAAGAACATAATTTATTTACAAAAA

>trans\_c\_3463 XM\_002301767|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA

AACCTCTCTCTCTCACGCACACAACAATGGCGAATCTACGGAATACTACTAGAACCGTTAATGGAGGTTTTC  
TTCAAACCTCACTTAGATTCTTCTCCTTCAGAGCTCTCCTTCCGCCATTTCCATCGCATTTCTTCTCTCTCTCT  
TTCTCATTCTTCTCACTCCCTCTACTCACTCTCCGATCTCACCTCCCTCCTGGTTACGATTCTGTTCCGTACCG

AATTAATTCCAGAACTAGGCTTCCGTTAGCTGTAAATCAGACCCGTTAAAACCGCGGTTTCGATCAGATCCGG  
AAGCAAGCCGATGACCATCGGACTTTGCTTCACGCCTATGCTTCTTACGCTCGAAGGCTTAAATTGGAGTATTC  
AAAGCTTGTTAGGGTATTCGCGGATCTTTCTCAGAACTATACGGATCTCAATAATAAGCCTGGTTACCGTAGTC  
TTTTTGAGCCTGAAACGGCTCCATCGATGAGGCTCTGCTTCGTCAGTTTGAGAAAGAGGTTAAAGAGCGTAT  
TAAAGTCACGAGACAAGTCATTGCTGAAGCCAAAGAATCATTTGGCAATCAACTTAAGATTGAGAAATTGAAG  
GATACCATTTTTTTCAGTGAATGAGTTATTGTGCAAAGCCAAGAAACAAGGTGCCTTCTCAAGTTTAATTGCGGC  
GAAATCTCTTCCAAAAAGTTTGCAATGCAATGAGGTTGATGGAAGAGAGAATTGCACATCCAGACAAA  
TATTCAGATGTAGGAAAGGCAGTACCACCAGAAATTGAGGATCCAAATCTTTACCATTATGCAATATTCTCAG  
AAAATGTAGTTGCTGCATCCGTGGTCGTTAATTCAGCTCACGGAGGC

>trans\_c\_3464 Novel Gene

ACCCGTGATGAATCTGTCCAACTCGCTGAGATGTTGTGAAGCCAAGACCCTGCTTCAGGGAGAACCTACTTGG  
TGGAATAATATTTATATGAGTTAAGTGGATTTGACTGAGGTTTCAGATAGGACAAAAAATGTTTTTAAGAGT  
AAGGAATAAATTTATAATTTAGTAGAGGTCTGTGGTGATTCTGTCCTTACTGAGATGTTGTGAGTTATATGGAT  
TTGACTGGTTTCGTTTTTGGCTGTTTTTAATTTAAGTTCACAAACCCGTGTTAGCATATTCACATCTTTTGAGTTT  
AACTATACTCATCCCTTTTCAATATGGGTATGTAGTCTGAAAACTCGAATATTTTGTGTTGTCATCAGCTTCT  
TCTCGCCTGACTTAGGAGACTGGAGTTAAATAACAGCACCAAATTTTCTAATATATTTGGAAAAATTTATATTGT  
TTTTTTTATTGCTTTTACAATCACTTTGTATTGCTCAAAGGCTTCTTTCCTACATTGTACGTTGTTGATTGATAG  
TTATGTGTGATGACAATATCTAGCAAGCTGAAGAATGACCGCGTGAGAAGTTGTACTGTCTGAAGTTTCAGAT  
GGAAGTTTGTAGATGTACATGGTATACTACTTGGTTATACTCTCAGCTGTTAAGTACGACGTAGGCATGAAGA  
TATTTTGGAGGTCTCGATTTCTTAGTGTGCCTCCTTCTTCTGCTGTGAATCTCCCTCTCGTCATTGTTATTTGAT  
TTATTGTTTTAGATATATTTGGCTAGTTTTATTATTGTTGTATTTTTAAAAAAGGTTGATTATGAGTTTTCTTT  
GATTTCTGAATCTGAATTACAGATCTTTATTCTATTTGCGTAT

>trans\_c\_3465 AL161550|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 50

AAGCGAAATTTTGATGAAAACCTTATCCTCTTTCCTGCTCTCATCCATGGCGTCCGTCCCTGCTTCGCATAGTG  
AATACAAAATGTAAGAGACGAGTCGACTGTATTTCAAGTTTCATAGACAAACCTTCATGGCCGCCATTGCCGGA  
TCTCTCAACCTTCTCTTGCCTTCAAACCTTCCATTACTCCGCATTAAGCAGAAAAATTGTGAATTCTCAATCC  
ATATAAAAAGCTACGAAAGAAATTGTTTTCCAAATTTAGACCAACCATTAACCAAAACCAAACTCGCACGAAC  
CATCCCACGAGTTTAAATGCAACATTGAGGCGTCCGAAGGGATTCCGACCAGCTCCAAGGAAGAAGAAGATG  
AAGAAAACAAAAGGAGAAGGAAGGGAGGATGATGACAATGACGAAGATGAAGAGGAAGACAACGAGGAA  
GAGGAAGGTGGTGTAATACCAGAAGTAGTGACAAATAGGATGATGAGTAGAATGGGATTTACGGTGGGGAT  
TCCATTGTTTATAGGGCTATTGTTCTTCCCATTCTTCTATTACCTCAAAGTTGGGCTGAAGATTGATGTGCCCTC  
ATGGGTGCCAGTCATAGTCTCGTTCTTCTTCTTTGGCTCAGCTCTTTTGGGAGTTAGCTATGGAATTGTGTCCTC  
TAGTTGGGATCCTATGAGGGAAGGCTCTTTATTGGGTGGAATGAAGCTCAGAAAAATTGGCCTGTTTTTTGG  
CAGTCCATTTGGGGTGGATCTAATAAGAAATAGATGAATTGGCTTTTATCTTCTTTCTTTTCTTTCTTTCTG  
TTCTTTTCGTATAAATATTATGGTCTTTTCTATAAGTGATATGAGAAGCTAA

>trans\_c\_3466 NM\_001061694|Oryza sativa Japonica Group Os05g0310800 (Os05g0310800)  
mRNA, complete cds

AGCTCATTCGTTTTCTTCTTCCGGCCGACCGGCGCTTCTCGATTTCAATTCGAAGTTAAATAGATCACTCTCTCT  
TTCCTCCGCGTTCCTCAATTTAGATCTCTCCCTTGTCGGTCAACAACTTATCGATTCCGCAATCCTCCCTGGT  
GCGGAAGACACAACCTTCTTATCTGTAGTCGGTGATTGTTGATTTGCACTCTCATATCTTTAAGAAAATGGTT  
GTTTGCCGCATCCATTGTTAGCAAGTCCGGGAAAGTTCTTGTTTCTAGACAGTTTGTTGATATGTCTAGAATCA

GAATTGAGGGCCTTCTTGCTGCTTTCCCAAAGTTGGTTGGAAGTGGAAAACAGCATACATATGTGGAGACAGA  
AAATGTTTCGCTATGTTTACCAGCCAATAGAAGCTTTATACCTGCTTCTTGTAAACAAATAAACAGAGCAACATCC  
TTGAAGATTTGGACACCTTAAGGCTCCTTTCTAAGCTTGACCTGAATATTCACCTTTCTATGGATGAAGAGGGA  
ATCTGCAAAACAGCTTTCGATTTGATTTTTGCTTTTCGATGAGGTTATTTCTCTTGGGCACAAGGAAAACGTGAC  
TGTTGCCCAGGTTAAGCAATACTGTGAGATGGAAAGCCACGAAGAGAAGTTGCACAAGTTGGTATTGCAGAG  
CAAGATAAATGAACTAAGGATGTCATGAAGCGAAAAGCAAGTGAGATTGACAAAAGCAAGATTGAAAAGA  
ATAGGGGTGACAAAGGAGGCTTTATATCTTTACAGTCTATGGGATCAGGAAAAATTGATAATGGTCTCGGTG  
ATCTGGGCATATCATCAGGTGGTGGAGGTGGTTTTGGTAGCAGTTCTGGTTTT

>trans\_c\_3467 NM\_101485|Arabidopsis thaliana TMS membrane family protein / tumour  
differentially expressed (TDE) family protein (AT1G16180) mRNA, complete cds

AGTGTTTTACCTGCATCGGTCATATCGCTATACTGCATGTATCTCTGTTATAGTGGACTTGCTAGCGAACCAAG  
AGACTATGAATGCAATGGTCTCCACAAACATTCCAAAGCTGTTTCCACAGGCACTCTTGCCTTGGGTCTTCTCA  
CGACTGTTCTATCGGTAGTCTATTCTGCTGTTCTGTGCTGGTCTTCTACAACCTTGCTTTCCCTCCAAGTTCACC  
CCGTGCAGGAAAGCCATTGCTTCCACTGGAGAAATCAGATGAGCACGAGGAAAAAGAAAAGTCAAAGCCAG  
TTACATATTCATATTCATTTTTCCATATCATCTTCTCTTGCTAGTATGTACTCAGCAATGCTCCTGACTGGATG  
GACCACCTCTGTTGGCGGAAGCGGCAAATTGGTTGATGTGGCTGGGCATCCGTGTGGGTTCGTATTGTGACT  
GGTTGGGCTACTGCAGCATTGTTCTGCTGGTCTTTGATTGCCCTGTTCTGTTCCCAGATCGGGACTTCTGAGT  
GCTTATTCGTCAAACCGTGAGAAATATTTGGTGATGTTAATGTGTCCGAACCTTTCAGTAGATATTATATCAAT  
CACTTATCATGTGCTTAGGAAATTTCCAATGTGTATATGTAGAGCCTGAAGGATCGCTATAAGCCTGGACTTTA  
ACTTGTGTTGGAAGACATTGTCTTGATTGCATATGATGAATGAAGAAAGTTGTGTAATATAGAAGTCCAAAAAG  
TGATTGATCTTGGGCGCGAAAGGGCCTTTAAATAACATGTTCTAATGAACTTGATTTTATAAGTTTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3468 NM\_120657|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing  
protein (AT5G05750) mRNA, complete cds

AAACGCGTCGTCATCGACTTAAATACGGTCTCAATTTCCCACTTTTCTCCTTCCATGAAGCTCTACAATCCC  
TAGATTTCTCTATTCGGAGCCATCCATATCCATGCGGTTTCATTGACGACATCTTACAGTTTCTCAATCGTCTTCT  
TCACCACCATCTGGAATTGCGGTTAGGTCTTTGCGATTTTGTGATGGAGGGTAATAAAGATGATGCTTTGAA  
ATGTTTGAAAATTGGGAAGAATCTTTGGAAGCTGGGAACCGTACCCGTGCCCTAAATTTGTGAATAAAGCT  
CTTCGTCTTGATCCGACGCTTTCCGTTGACGATCTCTTATCGGAAATTCAGAACGTTTCCAGTGAAGATTTAGG  
TGGGGATGCTGGTGAATCTGGGAATAGGTGCTCTGATACCTCTTCTTCCAAACCGTCCGATCAGCCTTCGATTC  
GCCGGAGAGTTCCTGCATCCGGGTCTTCTGAATCTTCGACATCGGCAATTTATACAGAGGAGCAGATTGAGAT  
TGTGAGGAAAATTAAGGAAGAAGGATTATTATGAGATTTTGGGATTGGAGAAGAGTTGTAGCACTGAGG  
ATGTTTCGAAAGGCGTATAGGAAGTTGTCTTTAAAGGTTTCATCCAGATAAAAAACAATGCCCTGGTGCTGAAGA  
AGCGTTTAAGGCTGTATCGAAAGCGTTTCAGTGTCTAAGTAATGAGGAGAGTCGGAAAAAATACGATGTTGT  
TGGGTCTGATGAGCCAGTTTATGAGAGACGACTACAAGACATGGTGCAAATGGATTTAATGGGTTTTATGA  
AAGTGATGTTGATGCAGAGGAGAATTTAGAACTTTTCTTCGGTGGAATGGCCCC

>trans\_c\_3469 Novel Gene

AAGTTTGCAGTAGAGAAAAGTGAGAATTTTGGGGGAGAGAGAGAGAGAGAGATACTATCGCCAATCTAGGA  
AACGAGTTGAAGCCATGATGATTAAGAGAGGGATAGGGTTTCGATTTGGGTGTGTTGTGGAATCGGATAAAA  
GTGTGAGAGGGACGAGAGATGGAGAATAAAGTGATGAAATGGTGAGTTTGGCGGATTAGTTGCGATCAGT  
TTTTCTTTTTTTCTTTGGTATTTTTTTGTTATCGATAAGAACAGAATCAAAGACCCCCCACTCTGCGTTGATACC

ACTGCTTACGGCCGGGGACCCTAGGTCGTCAGATTCATCGGAACAGGTAATGGCTCCAAAACAGCCGAATAC  
TGGCCTTTTTGTTGGTCTTAACAAGGGCCACATTGTACCAAGAAGGAGTTGGCCCCAAGGCCCTCTGATCGT  
AAAGGAAAATCAAGTAAAGAGTCTCTTTGTCCGGAGTTTGATCCGGGAAGTTGCTGGTTTTGCCCATATG  
AGAAGAGAATCACTGAGCTTCTAAAAGTTGGAAAGGACAAGCGTGCTCTGAAGGTAGCCAAAAGAAAGCTTG  
GAACCCAAAAGCGAGCGAAGAAAAAGCGTGAGGAAATGTCCAGTGTTCTAAGAAAGATGAGGGCTGGTGGA  
GGTGCTGAGAAGAAAAAGTGAGATCCACACTTGCTCATTCAACGTCGTGCACTGTGGCTGCTCATTTTTG  
TTTGTTTTAGGTTTCAATTTGTTGGAGACCGAGACCGAGCTCAGGCTGATGATCAATTTAGTTTTGTGATGGT  
GGAACCTGGTTACTAAGACCGAAGTGTGTTAGAGCCCCGTTGTGTCCAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3470 XM\_002314593|Populus trichocarpa SIN3 component, histone deacetylase complex (SNT902), mRNA

TGTGCTTCTTCATGATGATAGCGTATACCGAATTGAATGTTTCATGTAGTCCAGGTCATCTATCCATTCAGCTAAT  
GGAATTTGGCAATGATAAGCCTGAAGTGACGGCTGCTTCAATGGATCCTAATTTCTCAGCTTACCTGCACAAT  
GACTTCCTCTCCATTCTCCGGATGACAAAGAGCAGTCTGGAATCTTCTTACACAGAAATAAGTGCAAGCATGC  
CTGCAGTGATGAAATTTCTGCTGCATGCGAGGCCATGGAAGGACTTAAGGTTGTTAATGGTCTGGAGTGTA  
AATCACATGCAATTCATCAAAGGTCTCTACGTTTTAGATACAGAAGACTATTTGTTTCGCACAAAAGGCAGAA  
GAAGAAGTTTGCATAGAAGTGGTTCGTGCCGTCAACACAGTCAAGGTCTTCAAATAGAAGCTCAAACAGAG  
GACAACGATATCAACGATGGCTGTGAGCTCATGATGCACATCCTATTACCTAACTGTTTCCAATGGCACGATG  
CGGGGGTCGAAAGAAGCTCAGGGAATGAAAGAACCGAATGTGCTCAGGGAATGAAAGAACCGACCGTGCCA  
AAGAAAAAGAAAAAGAAAGAGAGAAAGAAAGGTGTGGTGAGATTAGCCATTATTTGTCTGTAATCAGAC  
AACTTACACCACAAAAGTATGGAAGTTGGATCCAGGCTTATAGATTGGTTGTGTCAGAATCTTGTAATAGAG  
GTAATTTGTGATGTGGAAGTGGAGAGGGAACCTACGGCACCTACAATTTTACATTTTATTCTTTCTTTCTTC  
AATAAACTGTATTTGTATACAGAAGATGGTTGCGTATTTTCATCTATAATTAATTTGTT

>trans\_c\_3471 HM013971|Helianthus annuus acyl carrier protein 2 (ACP2) mRNA, complete cds

ACAGTCTTCGTGTTAGTTCCTCGTTGTCTCCAAATTCTCATTTTATTTAACTTCTCTTTCCCTTTCCCTTTCAATTCC  
ATTTCTCTTTTCAAATCTCAGATCTCTTTGTTTATTCTTACTTACAAAAATGTTCTCCATCGCCGGATCTTCGGTTT  
CCATGCCTTCTGTATCAGCTTCGTTTCGATCAAAGCCAGGTGACTAGCGGCCAAATCTCAGGTTTGAAATTAGTT  
CCCGCGCCTTTAGGCAAGGCCATTTTCCCTTGCGAAGGAACTACAGGCAGGGAAGCCTTCAGGTTTGCTGTG  
CGGCAAAACCAGAGACAGTGAACAAGGTGGTTGAAATTGTGAGGAAACAGCTAGCTTTAAATGAAGATTCTA  
AGGTCGATGGAGAATCTAAGTTTATTGACCTCGGTGCTGATTCTTCTTGATACGGTTGAGATAGTGATGGGACT  
TGAAGAGGAATTTAAGATCAGCGTTGAGGAAGAGAGTGCCCAAAGCATCACTACCGTCCAGGAGGCTGCCG  
ACCTCATTGAGGACCTCATTTCTAAGGATTCTGCCTAAATTTAATCATTTTACGTTTCTATTTTAGATCTTTCTC  
TCTCTGGATTTTGCGTTAGCTGCTTCCACCACCTTCATCACTTTTTTCTTTTTTTTTTTCTTTTCCCTTTAAAACT  
CCCTCTATATCTACAAACGTTCTCTGCGTGCCCTCATTCTTCACTCTTTAACTTGTGAGAATTTGTTTCACCTT  
TTTTTTTTTTGGTTGTTATTTATTTTCTTGATCATTGTTATATTATTAACAAGTTTCTAGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3472 BT024891|Arabidopsis thaliana At3g14150 mRNA, complete cds

TATCTTCAGTAAACACCCAATTGAACATGTTTTCTGTTCCATAAACAAAGTTGAATTATAGTTCCCGACTTC  
AATCGGCCAGCCCTGCTTTTTCTGGTTAAAATGTCAACTGAACCAAGTGAATGTGGATGAGTTCGAAGAATTGG  
CTAGGCAGGCACTTCCAAGAATGTATTACGATTACATTGCAGGAGGAGCAGAGGACCAGCACACACTTAGGC  
AGAACATACAAGCTTTCTGTAGAATCACGATACAACCTCGAATTCTTGTTGACGTGAGTAAATTTGATATGTCA  
ACAACGATCTTGGGCTAGCGTATCTCTGCACCTATTATGGTTGCTCCAACCGGTTCTCATAAGTTGGCATACCA

TGAAGGAGAGTTAGCCACAGCCAGAGCGGCTGCGGCCGCAAAAACATAATGGTTCTATCCCTTGATCCTCC  
TACTCAATGGAGGAAGTTGCCTCTAGCTGCAATGCTATCCGCTTCTTTCAATTATATGTTTTCAAACGGCGTGA  
TGA CTGACTCTGCTAGTACAAAGAGCTGAGAGATTTGGATATAAGGCCATTGCTCTGACTGCTGATACGCCT  
CGACTTGGTAGAAGGGGAGGCTGATATAAAGAACAAGATGATTGCACCACCACAGAAGAATCTTGAAGGCTTG  
TTGTCTGTTAAAGTTGAAGTTGAGTCTGATCAAGGTTCTGTTATTAGAGTCTTTTGTTAATGAGGCCTTTGACCC  
ATCCCTTTGTTGGAAAGATGTAGCATGGTTGAAATCAATCACTAGCTTGCCAATTCTGATCAAGGGAATTCTCA  
CACATGAAGATGCAATTAANGCTGTGGAAGTAGGTGTTGATGGAATTATTGTC

>trans\_c\_3473 X91955|A.thaliana mRNA for 30S ribosomal protein S13

AATCCAAGTTTGTGTTTCGTAATGTGCTGATCGACAAGTTGGAACAGAGGACATCATGGCGCAAACTTTAGCAA  
TCCCCTGCTCCTTCACTCTCCCTTATCTGCAATTCTCGCAACTCCAATCCTCTATCTAACACTCTCTCCTTCCCC  
ATTTCAAACCTCAGGTTCTGTTGTTCAAATCAAGTGTGTACGTGTTGGAGGAGTTGAGATACCGAACAACA  
AGCGAGTTCAATACTCCCTTCAATATATACACGGTATCGGTGCAACAATGCTAAGAAAATACTTTTTGATCTA  
AACCTGGAGAATAAGATAACCAAGGACTTATCTGAGGAAGAACTAAAATCTGTAAGAGATGAAGTTTCCAAG  
TACATGATTGAAGGAGATCTGAGGCGTTTCAATGCACTTGCCATAAGGAGATTGAAAGAAATTCAGTGTTACC  
GAGGGATTGACACATTCAGGGGTTGCCTTGCAAGGGGAGCGAACGAAAAACAACCTGCAGAACCTTGAAG  
GGTAAGAAGGTTGCTATTGCAAGCAAGAAGAAGGCTCCTCGTTGATGTCCTTACGATTGAACCGAGTAAATCT  
CTTTTAAACCTTTGAGATATATTCTTTTAACTCTGGAATTGCGTCTAATTCCTCATGGGAATATAGTTTCTTG  
CAAACACCTGTTATGTTATTGTTGCGCCATATTCTACTTTACAGATGTCCTCACCTTCTTTGACGAATGCTCAA  
TGTTCCGTAGATGAGTGGTGTATCTTAACTGATCATTTAGTTCTTTATGCAACTTAGCAATAATTAAGTATG  
GATACAAAGTTTATACTGCAGAAAAA

>trans\_c\_3474 NM\_001054465|Oryza sativa Japonica Group Os02g0717200 (Os02g0717200)  
mRNA, complete cds

TCACTCTCTTCTTCTGATTCCACCAATACCCATAGAGTTTTCTGTGTTTTGTGAACTTTCTTTCTTTGGTTCTT  
CTTCATTTTCACTGCTTTTACTCTAATGGGTCCTTCCAATGATTCAATATGGGCTTCGTTTCTTATCAGTGGTCA  
CTGTTGCTTGATAATTTTGTCTTGGAGTTCTTAAAGAGGATGGGTAGAGGTAGAGGAAAGGGGAGGAAGT  
TAACCGTCACAAATCATGACGATGCTGGAAGTGGTGAGGAAGAGAAGATTCTGCGCAAAAGCGAAGGGGA  
AGGCCACAGAAGCCATTGAAGGATGAGATAGATGAGGAAGAAGCTGAAAAGATCGAAGATGAAGATAGCG  
AGAATCTGAAAGGCAGTGATATTGTGAGCAAGGAGATGAAAAACCCACCTGCAGCAGAAAATGGGAAAAGA  
AGGAGAAGAACTCACAAGTGAAGAAAAAACTCGATCCAGTGAAAGACGAAAATGGGGATGGAACAAGATC  
AAGCACTGATGAGTCAACGAGATCAATGGATTTCGTACAATGGAAGCAGGAGAAAAGCAAGCCCCGTG  
AGCTGCTGAAGCAGGCGTTAGCTGCAAGTGAACAAGTAAAGAATATGGTTTTCTTACTGAAGGGGGGAGC  
CAGATAAAATTTTCAAGGTAGAAAATGAGGCATAGTGATCTTCTAGTCATAGATTACCATATTTCTGTTTCTC  
AATCTCATCTCTATAACTATTTTCCATCACCATTCCTTTTGCTTATTCCTAAAAGAAATTGTTGAATTCAAGGATTC  
ACTCTGCTGGTTTTAATATTCTTTTGGCTAGCAAAAAA

>trans\_c\_3475 XM\_002882379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L22-2, mRNA

AAACTCAAAACCTAAATTCAGCGCCGATTCTTCAATACATATCTGCAGGAAGTTAGGGCAAAGCAGAAGCAA  
AAATGAGCCGTGGAGCAGCCGCATCCGGTGGCCCTAAGGGGAAGAAGAAGGGTGTGACCTTCGTTATCGATT  
GCGCGAAGCCAGTTGAGGACAAGATCATGGACATCGCTCATTGGAGAAATTTCTTCTCGAGAGGATCAAGG  
TCGGCGGTAAAGCTGGAGCACTTGGTGACTCTGTTACTGTCACTAGGGACAAGAACAAGATCACCGTCAACTC  
CGACAGCAATTTCTCAAGAGGTATCTCAATATTTGACTAAGAAGTATTTGAAGAAACACAATGTTAGAGAT  
TGCTTCGGGTTATTGCTTCGAACAAGGACCGCAATGTCTATGAATTGAGATACTTCAACATTGCCGAGAATG

AGGGTGAGGAAGAAGACTGAAGTTGAAGTCTTTATATTTTGGGAAGCATTGTTTGCAGTAGGATTAGCTATATT  
TCCATACCTTATCTCGAAGCGTTTTCCATATAGAACATATAGCAAGGGGATTGCCTGAGTTCTGAGATGATGCA  
ACTCTTGTTTATTTCTGAAGTTTAAATATCTATAAAATTTGCTCTCGTAGCTCTCTTCTTTTGCTTGATTGAAGAT  
AATTTTCTTACTATGAGAGTATTGGTCAGTTTGTACTTTGTTTGAGGAATTGGAATTGGCAGTTCTTCTGAGAA  
AGTTGAAACTGTCTGGTACTGTTTGCGBAAGAGTTGCAAACTAATGGTTTACTTCAATGGAGGACATCAAA  
TAAACTTAAATTCTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3476 X80170|O.berteriana rpl2 gene

AGGTACACTGTTACATTTGTTGCGAGCAGGGATGCTGCTCAAACCACGAGATTGGGGTTTGGATCGATTGTGT  
GGAGCAATGACCAACACCAAGTTAGAAGCCCTGTGTCATTGCGCTGGACTAGGTTGTGATTGTTGTTTTTGT  
TAGGGCGTTTTCCAATTGTTGTAGGTTTTCCCATTCCTTCAACTTGCTCCATGAAACGGCAAGAAGATGATGAT  
CAACAAACAGTCAACAAGAGAATGATCATCATCAAAACATGGGAAAATTCAGCGTTTGGTTTGCCATTGATTGA  
GAAAAGCCTTAGGGGTTAAACTAATGTAATGGCATAAAGTTTGGCGCTTCTATTCCTAGGTATCTAAAAAT  
TGTTTTACCATCTGTCTGTAACGAAAATTCAAAAACATGAAGGCCAGTGAAGTGTGTGCTTTGACTTAGATTG  
TTTTAACTCCAAAAATTCTCTCATCTATGATTTCTTCTCCTCATTATATAACTAGACGAAGTGATGAGCATGTTCC  
TAATCCGCATTGTTGTAACACAAACATGTAATAATGAAGCTGCACTCTTTGACAGAGTTTAGGTTGC  
AAGAACTTTAGGGTTTATTGGAGATACTAAACATAATGAATCAAACTAGAGACGGATCAAGGTAGAATA  
CCTACCAAGCCGATAGGCAAAGGGTCGAAGGATGGAGATCGCAGAGTCAATCGTGACCTGTTGTGTAACCA  
CTTGTCCTTAAAGCAATATCTAGCATGAAGCAATCCACGTCTGTATGTTAGGGGCACTAAAATGGAACCTCAAT  
TGGATGCGGACACCGCAATCATAAAGAAATCATTGTACCTCTCAGCATGCTT

>trans\_c\_3477 XM\_002874026|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger (ZPR1-type) family  
protein, mRNA

CATGGCAACTACCTGTGATGCTTGTGGTTACCGTAGTTCTGAGCTGAAGCCTGGTGGGCGAATCCCTGAAAA  
GGAAAGATAATTAGTCTATGTGTGAAGAATGTTAAAGATCTCAGTCGAGATGTAATAAAGTCAGATACTGCAA  
GTGTAAAAGTTCCAGATCTTGAGTTGGAGCTGACTAGTGGTACTCTTGGGGGAATTGTTACAAGTGTGAAGG  
CTTAATCACAAGATAAGTGAAAGTCTTGAGAGAGTACACGGTTTTACTTTTGAGACAGTCTTGATGAAAAT  
AAAAGAAACAAGTGGTTGGACTTCAAAACAAGACTAACCAAGCTCTTGAGTTTGGAGCAGCCTTGGACTCTAA  
TCCTTGATGATGCCTTAGCAAATTCGTTTATTGCACCAAGTGACCGATGATATGAAAGATGACCATCAGTTAACA  
TTTGAGGAGTACGAGCGTTCGTGGGAACAAAACGAGGAACCTGTTTGAACGACATGGACACCTCAGCTGCT  
GATGCTGCTTATGAGTGCAACTAAAAAATGCTTCTGCATTAGACAAGATAGAAAGCGTCGAACATGTGGTAG  
AGTTTTCAAGTATCTACAGAGGTTGATTACTGCGGTGTAGGTTTGACTTTGTAACTTTATACAAATCAAATG  
TTTCATCCATTGTTGTATGTTATATTTATTCCTAATGCAAGTGTATACACAATTTAGGTCAGTTTCAGTGTGTTTT  
ACTCCATAAATGTTTAGAGCTGAATAAACTCAAAGTATGAAAGATTCTTTGGCTTGATTTTGACCATTAT  
ATATTCCTATATTAATTTTAATTTCACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3478 Novel Gene

GAGTAGATGAAAATAGTGGAGAAGTGGGTAGAGAAAATTCTGAAATTCTCATTAAAAGGTTATCTCGGACTT  
TAAGCAATTTGAATCAAAATAGTGAGGCTGTTGAAGACGAAGGACAGGGACTAAGAAGGTCGGTTTCTATGG  
ATTCAGTTTCAGCAATGGCTATTTATCAAGTCACGACCAAAATACAAATTCCAGAAGAAGGGTGTTCTGTCAAA  
TGGAACATTAATGGAAGTGAAGGATTCAGTTTCTTCTAAAAATCTTGGGAATCAGAGCCTGTATAATCTGGTG  
AAGAGTATTTCAATTTGGGCATTCTATGCAGAAAGGAGGGATTTCAATAAAAAGATTTCAGTTTCAGGAAGAAGG  
AAGTTACAATGGGCCAGACATTACAGAAGCCAGAGCTCGGTCCTCCGATGTGAGAGAGGAAGAAATCTTAA  
AAATGGCTGGGAAAATCAACATCTTCTCTCTAGAGTTTCAAGAAGCTGTTCTGTTTTTGTGTATGTGTATGAA

GCTACAGGAACTCTTAGGCTGTTTCTGTTCTGTTCTGTTTGGGGTCTTAAGGTAGTTTACGAATAGAATCAA  
TGAAGAAGAAGGCTCATGATTTTGAGTGAATTATGGATGACTGAAGTTGGGTGTTACTGTTAATTAATAGAAA  
CAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAACAACAATTTTGGCTATACTTCCCTACACATTATTCTACTTCTTGT  
ACATGTAACATATCTCTACTTCAACCAGTAATTTATACAATAAGATTAAGTGACTATGAGATTAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3479 BT025795|Arabidopsis thaliana At2g42760 mRNA, complete cds

AATTCTGAAAACCAGGTTTGATTTCAGTTTGTCTTCAATATTCCCCACTCATGGAAGCAGAGAAGGTCTTG  
AATTCCTACGATTGGGTTTGTTTCCACCGCCAAATCTTCCAAAAGGAACCAACTTTTACAATCTTATCCAATTCT  
GAAGACCACCCAGATGATGAAGAGGGCTTAATCTCGAGTTCTGCTTCTTTTACCCCAATTCAGTTCTCTCCAG  
TTCCAACCTCGGATCTCCATTCTCAGAAACAACAACCCCAAAACGACACCCTTCAAAGAAGCATCGAAACCA  
GAGAGATCGAGGAGGAGGAAGTTGGAAGAAAAAGCCTGTCAGAGCTTGAATTTGAAGAGGTGAAAGGATT  
TAAGGATTTGGGGTTTGTTTTACAGAGGAAGATAGGAATTCAGAGTTGGCTTCAGTAATTCAGGATTGAAT  
AGGTTAGGATCGGAAGAAGAAGAAAAAGAAAAAGAAGAGAAGAACTTTGGATGATGACGATGATGAAG  
AATCAAGAGTCTCAAGACCTTATCTTTCAGAGGTATGGGAGGTCTTAGCAATGGATAGAAGAAGAGAAGAAA  
TAATCAATCCATTATTAAGAATTGGAAGCTGCCTTCTTCAACAGTGAAATTGATATGAAACAAAATCTCAGG  
TGGTGGGCTCATACTGTTGCTTCCACTGTTAGATAACAACATTCATTCTTTCTTTTATTTTTTGAAGATTA  
AAATTGAGATCAAGTAATTTTGGTTTCAATGAAGTTATTCTTTCTACTAATTTGTGTTTGTGGATGGGACTTAGC  
AGTACAGAGGAATGTAGATTATTAGGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3480 NM\_001049068|Oryza sativa Japonica Group Os01g0237100 (Os01g0237100)  
mRNA, complete cds

ATAGACAACCCAAATATAATCAAACCCATTCATCTTCTTCAACTATTCCCCACCACTCCCCTGTCGTTGTTTCCAT  
AAAAATCTGCTCCACCACCGCCACTAACAACGCCCTAAACCACCACAATTGCAAAATCTCACTACCCCATCAA  
CCACTTCAATCTCTAATCTCTCCCATTCCTTCAACAACATGGCTTTTGGGATTGTTTCCATGACCATCCTTCTCT  
AATTCCACTTCAAGTTACAGTTCCCGCTTATCTACCGTCGGAGTCGTCCTTTACTACTTAATGTCTCCTGTGG  
GAATTCTGTTGTTCACTACTCAAATTTCACTCGAGATTTGTCTCTAGCTACCGAGAAGCTTGGAATGGTGATG  
CTATGACTGGAGGAGCGTTTGATTTTAGAAAAGCCACAACGTCGCTAACTGAAAGGTCAATCTCTACGTCAAA  
GAAGGTTACTCTTGTAAGGCATGGACTTAGCACTTGGAATGAAGAAAGTAAAGTACAGGGAAGCTCGGACTT  
ATCTGTCTTAACACAAACAGGGGTGCAGCAAGCAGAAAAATGCAGAAGAGCCTTGGAACATAAATTTTGA  
TAGATGTTTCGCAAGTCCAATATCACGCGCCAAGTCAACTGCTGAAGTTCTATGGCAAGGAAGAGAAGAAGA  
ACTGGTTTTTCTTGATTCTCTGAAGGAAGCCCATCTGTTTTCTCGAAGGAATGAAAAATGTGGATGCTAAGA  
AGATTTATCAAAGGAGTACACAACATGGCGAGAAGATCCTGCTGAATTTGCGTAAATGGCGTCTACCCCTCT  
TCGAAAAATTTGGGGAACAGCAAGAGAGGCTTGGAAGAAATCTTATTAT

>trans\_c\_3481 XM\_002874527|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase/ protein binding protein,  
mRNA

TGTGCATTTATCCTCTAAAGCCGTCGTAAATATCAGACTTGGCATTGCTTTTACTACACGCCTGCTCATTCCCCG  
AAACTCTTGAGAATAAAAAGATCGAGGACGTCCTCGTCTTATTCGATGTCTTCGAACAAAGAAACAAGTAGCA  
AGCACTGCAGACATTGCAAGAAGAGAAATAAAGGAGATAGCCATGATGGACCATGCAGAGTTTTCAAAGCTT  
GGAATGATCCATATCTCAACGTTAGCCAAGCCTGCATACTTCTTCAATGTCTCGCCAGATGTTTTAGTAACAAA  
TACAGCATGTATTCTAATACCAGCCGAGCTCCCTGCCATCGCAATTAAGCCACCATCTTCATTGTCATAAATGAT  
TGCAGCTTTAAATCCAGCTACTTGGGCTCTCCTCACTTTATCCTCAAAGCTACATCCTCTCTAACTATAAGCGC  
AAATGGTGAAGTGGAGTTTACAGGCACCACAACCTTTATTTTCCAATGTGAGCAAGCATCAAGAGGTTTTGCC



AGATATAACACCCCAGGTTCTCCTGAACTTTCTATTGAAGGAGCGAAATTAGCTTCAATGGAGTCGAAAGAAA  
GAGTAATGTTGGCCCCAATCAATACGACGTTAGCTGCAGAGCCGGAAGAAAGAACCAAAAGCAGTGAAAACA  
ATAAAGCGAGACGTGGATTCATAGGAGTCAACAACAAGAAAGCCATGGACCGAAAAACCTAATGAGTAAAA  
GAGAAAAGGAAGATGAGAAACAAAGATTGAAAGGAAGAAGAGAGAAGAGGATTAGGGTTTATAAAATATG  
AATTA AACATCAGCTTCCATTTCTCAGAAGGAAAAATCTCCTTGGTTTCGTTGATT

>trans\_c\_3482 AY836670|Populus tomentosa auxin-responsive protein IAA mRNA, complete cds

AAGCATTTCCATTTCTTCTTCCCACTTTCTCTCTCCCCACTTTCTGTTTGTTTCCCGAGAAAATACACAAATC  
CATCGGAAAATTCAACAAACCCATTTAGAGAAAGCAAAAATTAAACAATGGCCTTTGAGAAAGATCTCAACTT  
GGAAGCCACCGAGCTCCGATTGGGTCTCCCGGGAACCTCACCTGACGATCAATCTAATTCTCCCATCAACCGA  
ACCAACTCCAACAAAAGAGCTTTGCCTTCCGACGACCAAAATCCCTTGGAATCTCGCCGAGAAATTA ACTCCGA  
TCCCTCAAATGCACCCAAGAAAACACCCCTCCACCAAGGCACAAGTTGTTGGGTGGCCGCCGGTGAGATCA  
TTTCGAAAGAATTGTTTACAAGCAAAGAAAAAGAGGAGGCGGCGGCGCGGAATGTTCAAAAAGTGAG  
CATGGATGGAGCTCCATTTCTAAGGAAAGTTGATCTCAAGATCTATCAAGGATATCCTGACCTTCTTCAAGCTT  
TGGAGAACATGTTCAAATTTCTTGGCAAGTTTTGTGAGAGAGAAGGGTATAATGGGTGCGAATTTGTTCC  
AACGTATGAAGATAAAGATGGCGACTGGATGCTCGTCGCGCATGTTCCATGGGAAATGTTATGAGCTCATG  
CAAGAAGCTAAGGATTATGAAAGGATCAGAAGCAAAAGGTTTAGGCTGTGGATCAGTGTGAAATAAAGAAC  
AGAAAAAAAATGAAAGTGAAAAAAGGGATTAGAGAGCACCCCAAATTGCTCTCTTTTTTATAAAGATCATCG  
AAAAAGTCGTGAAAGTTCATCACACCGCCGTGGAATTTGCGGCGGAGTGCAACCAC

>trans\_c\_3483 NM\_202447|Arabidopsis thaliana 2-dehydro-3-deoxyphosphooctonate aldolase /  
phospho-2-dehydro-3-deoxyoctonate aldolase / 3-deoxy-D-manno-octulosonic acid 8-ph  
(AT1G79500) mRNA, complete cds

ACAATCGTCCAAGATCTAGACCACCTTTTTCCATTGAATTGGTTAGAAGTAATTGTCTGAAGTCTTTAACTGCAT  
ATAAGTAAACGCCATGGAATCTTCGCTGCTTTTCAACCAGCTCCGGGCGGCTGAGCCCTTTTTTCTATTGGCTG  
GTCCAAACGTGATTGAATCAGAGGAGCATATATTTAGGATGGCCAAGCACATCAAGAATATATCATCGAAGTT  
TGGTTTGCCACTGGTTTTCAAGTCCAGCTTTGATAAAGCTAACCGTACATCTGCAAATCCTTTCGTGGTCCAG  
GCATGGTTGAAGGCTTGAAGATACTTGAGAAGGTTAACTAGCATATGATATACCCATAGTGACTGATGTGCA  
TGAATCCATACAGTGTGAAGCAGTTGGCAAAGTTGCAGATATTATCAGATTCCTGCGTTTCTGTGTGACAG  
ACTGATCTTCTAGTTGCAGCAGCCAAGACTGGGAGAATTATAAATATTAAGAAAGGCCAGTTTTGTGCTCCTTC  
TGTAATGACAAATCTGCTGAAAAGATCAGAATGGCTGGAAATCAAATGTGATGGTTTGTGAGAGGGGAAC  
TATGTTTGGTTATAATGATTTAATTGTTGATCCTCGGAACCTTGAGTGGATGAGAGAGGGCAAAGTGCCTGTT  
GTGGCCGACATTACGCATTCATTGCAACAACCTGCCGGGAGACAGTGGGGGAAAGGGAAGGTGTCGCTAGT  
GGGTGGCCTACGTGAACATAACCATGTATAGCGAGGACAGCAGTGGCTGTTGGAGTAGATGGGAATCCAT  
GGGAGTACACGACGACCCTCTGAACGCTCCAGTTGATGGTCCACACAGTGGCCTTTG

>trans\_c\_3484 XM\_002873862|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pale-green and chlorophyll B  
reduced 2 (DVR), mRNA

ATTGTGAGCTTAAGCCATCATACTCATTTCCACTGGCGGTTCTACCTTAAAAACAATGTCCATTTGCTCCACCG  
TCGGTGCCGGATTCAACCTTCATTCGCCGGCGAATACCATCAATTCAACCCGTTTATCTTCTCATTTGCTCTATC  
GGATTCCGGTGAGTTCATTTCTTTCTTTTCAAATTTCTTTTACGTTTATCACGAACCCCCAAATTCAGTAG  
GAAAGGACGAAATCGCATTGTAGTTTCTTCGGCCCCAGTTGTTGAATCCACTAATTCTTCGTTTAGAGCCAAAA  
ACCCTAAAGATACTAATGTTTTGGTAGTGGGTTCTACTGGGTATATCGGGAATTTTGTGGTTAAGGAGCTGGT  
TAGTAGAGGGTTCAATGTCATTGCCATTGCTAGGGAGAAGAGTGGAATTAGAGGTAGAAACAGTAAGGAAC

>trans\_c\_3485 NM\_125452|Arabidopsis thaliana yrdC protein-related (AT5G60590) mRNA,  
complete cds

>trans\_c\_3486 AF124161|Nicotiana plumbaginifolia molybdopterin synthase sulphurylase (cnx5)  
mRNA, partial cds

>trans c 3487 BT002661|Arabidopsis thaliana At3g07470/F21O3 18 gene, complete cds

TTCTCGCGCCGTTTCTATTCTACCTTCTGCAACCTCAAATCCCCCTATTCTCTCTGTTTTCTCTCCATTTTTCG  
TTTCCGTCATGACCTTTTTCTTTTTCCCTTTCTTCTTCTTCTTCATCTTCTTTGCTTCCCTCTCATCGCCGC  
TCCTGACCCCTCCACCATTTACGACCATCTCCACCTTACGGGCTCCCCATCGGCCTCCTTCCAAAGAACATCAC  
TAAATTCTCAATTGATTCTTCCACCGCCGTTTCCATGTCTTCTCGATCAACCCTGCAATGCCAAGTTCGAGAA  
TGAGGTTCACTATGATTTCAACGTCTCTGGCAGGCTCTCCTACGGACAGATCGCTGAATTGGCTGGAATTTCT  
CCCAAGAGCTCTTTCTTTGGTTTTCTGTAAAGGGAATTCGTGTCGATTGTCTCTTCTGGTGAATTCATTCG

ACGTCGGCGTTGTTGACAAGCAATTCTCTCTTTCCCTCTTTGAGTCCCCCCTGATTGCACTGCAGCTGATCCGG  
TTGATCAATCCTTCGCCTTCAATGCTGCCTCTCTTGATACGGATCGCCCTTTTCGACGAAGGAAGCACAGAAT  
CTCCAGCTTGAAGACAGTGAACAAAGGGCAACATCATAGATTAGCGATAAAGAAATGCTGCGGATTTTCCATG  
GATTTTGTTCGAGAGAGTCTGGCTTCACTGGTCCGATAAACCGTAGATTTTCTTCTACTACTTGTGGATTGCTT  
TTGTTATGTACAGTCTTTGTTTCCTCGTAGTCCTGTCTGATGGGGGTAAAAGAGGCATATTTGTTTTCGTATAG  
GCTAATTTAGCCTCCAATCCCCTCAGTCTATACT

>trans\_c\_3488 AL161581|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 77

AAGAGAGAGAAGGCCAGGCGATTGCTATACAGAGCGGACCTTGCGATTCACAGGCAGTGGTTGCTATCATGA  
CCGCTGAAGCAATGAAAGCTGCTTCGAGGATGACTCCAATGGTGATGGATAAAGAAGCGAAGAGAACGCG  
AAACCTGATGACCACCACAACCTCCTCCGATTGCTCGAGCTCACTGAATTTACGCCAAGATGGCAAGCGGATT  
AGGTTGACGATTTTGTTAGTGCTGGGTTTTGTTACTTTTGTCATGGTACAGCCTTTTTTTTCGATAATGT  
GCAGATTTAATTGCAAACCTCTGACACGACAAACGCGAGCCGTACGGTGATTGAGAATTTGTTGCTACAGCTT  
CCCAGATCCACAAGGAAGGGTTTTTAGGCCAGCATGATTGAGAGGAGTCCCCTCATTTCACTGCAAAACATT  
GTACTGAATGAATCAAGTTTAGGTGGGGGTGTATGGAAATTTTAAGGGTCCCCATAATTGTACAGTTTTTCCC  
CCATCTTACCCTGTTATTTTCTCACTTTGCCCTAAAAGCTCCCCTTTTCTCTCCTTAACCCCTTCAGTTTCTAAA  
GTGTTCCATCCATCAAATGAGCATCTTAGCTTAAATAATACATCATCTCTTCAATGCCATTGCATATTTCTCTGT  
ATATACGAACTCTACTGTTTATGCTATATTACTACTCTGATGATGCTTCTCAGAGATTTATTTTCCACAAATTAT  
TCCTATTTTTTGAGTTCTACAGACAATTGTTGATTGTAAAGTATTGATTGAGATTACAAGCTTCTTAAGTAATAT  
TTTTATCTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3489 AF370475|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F2103.22) mRNA, complete cds

CAAAAAAGCAAACCCAAAGCTATCTAGAAAAGCACAAACCCAAAGCTAGCAAAAGAAGCACAAACCCCAAA  
CGCATCTCTTCTTCTCCTTTTGCTTCTTCTCCCAAATCCCAATACAATCCTCCAAGTAATCCGATACCCATT  
CCTCAATCTTCAATCTTCAATCTTCAATCCTCAATCCTCAATCCGCCACAATCCACCTTCAATGGACGA  
ATCCGAAGCATACCCAAAAGACCATTTCAATGGCCGGAGCAGAAGAGAAGAAATCCAGCGCACATCCTCTTCC  
TCATCGTCGACCACCAGCGTCCACGTTACAGCGTTGGACGGTCTCGTCAACGTCAATTCCTTTTACAATCGC  
TGTTTTGTAGGACTTTCGCTGACCACACCAGGGCAGCATAGTCTTGAGAATTCCTCTGTTTGTGATGCCGGCA  
TTGACGTTGCACGGAAGCTTCTGGTGTTTGAGGTTGTTTCGATTAGCTTTTTCTGTTCTCGTCTCTTGTAGCGC  
AGGGTTTGAAGCTTACGATTAATCTTTAAATAGTAAAGATGTGGATGAGGCGTTTAGGGCTCATATCAACTT  
GAAGGTTTTGAGATTGGGGATGTTGGCTTCTGCTATTGGATCTGTTATGGGATGCTTGTCTGATGCTGTCAA  
TGGTGGATGTTATTCAAATTCGGCTTGGGATGTTGTCTTGTTGGAAGTAAGTCTGCTGTTTCATGCTGTGGCTGCT  
CTTCTGTTCTTGTTCCTCTGCTCTTTTGGTCTATATTTCTACTGCTATATATGCTTTTCTGCATTGATTCATTAT  
GCTGAAGATGATGATCAGCGTGATTTTATATATATAAAT

>trans\_c\_3490 XM\_002876545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPP2-A13, mRNA

AAAAAGAAAAAAGCATTGCCATTATTGTCCATCATCTCTCCCTCTTAATTTCTCTCTACACCATTTACAAATA  
CACAAACACACCCCTTCTAATTAATTAATCCCTCTTGATCCTCTTTATGGGGGCTTCCTTTGCCAAGGTCTCC  
ACCAATCTCCACCTTCATCGTCTTCTACCTCTTCTAGAAAGACATCCCCGAAAATTGTATTTCCATTGTCTTCA  
TGTAATTGGACCCTCCCGAGATCTGCAATCTTGCTTCTCTTAACCATGCCTTTTCGCTCATCTTCTCCGCCGATTT  
CGTTTGGGAATCCAACTCCCTTCTAATTATATCTTCTTGCTTCATCGAGTTCTTCAACTTCAACAATTGACCGCC  
CACCTAAGAAGGAGATCTTCGCTACGCTTACTCGCCATCTCTATTCGATCACGCCACTAAGGAGTTTTGGTT  
GGATAAAAAATCTGGGGAAAATTTCAATTCGATTTTCATCTAAGGCTTTGAAGATTACTGGGATTGATGATAGA  
AGATATTGGAATTATATTCCAACCTGATGAATCAAGATGCTGATGGGTCTTAATTTTCAAAAAATATAATGGAA

GAATGGATCGTCGATGATTATTATATTATCTTTAGAAAATTATTTTTAATTAAATATCTTTTTTGTCTTATATT  
TTAAATTTTATTGAATTTTGGACCACATATTTTAATTAGATATATTATTTTAGGTAATGAAAAATTAAAAATA  
TAATAAAATATACAATGGGAGGGACCAACAAATTATTATCTTGGAAATATTTTCATCCATTTTGAAATAGCCA  
TTTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3491 NM\_102437|Arabidopsis thaliana structural constituent of ribosome (AT1G26740)  
mRNA, complete cds

AGTCTGATTTCCACCGCCGGTATACTGAAATCAGCGTTGGCACTTGGTTTGCTAGCAGCTATGGCGTTGAGGA  
TTATGAGGGCGCTCGAGGGTCAGACGGGTCAATGCTAGGGCTTAAAGCGATGGCTTATGGTTACCCCATTC  
TTCGCATGGGGTCATGGGCCCTAAGGATTCCCCGCCCCGCTTGTCTTCTGAGTTCAACCAGGAGTCTGATG  
AAGATAGAATCAACAACGAGTATTGTGGGATTTGGTTTCCCTAGCTTATATTTTTCCGGGTCTATGGAGCTC  
ATGGCTGTTCTAAGAAGAAGGTTTCTCCACATAAAAGGCGCATAAGAAATGCTCAAAGGCTCTAAACCTA  
TTCCAGTTATAATTCGGTGCAAGGGTGTGGTAAAGTGAAGCTGCCTCACTACTATTGTTGCAGTGGAAGACC  
AGGGGAACAGGACAATTCAGCCACATGAGGCTATGGAGAGTAGAAAGGGCGGTGAGAGCAATGTCTTCAGT  
TATAGAATCCTCCCCATACCTGGGAGCTATAATTCCTTTTCACTATTCTTCTTATTAGATTCTTGAAGTTTCGG  
TTCTTCTGCAGATTGTATAACAGATTGTTAGATTTCAACATGTTATAACCATTAACATTGAGCCATATCCTTGC  
TTTGTGCTATCCAGCAGACTTCAATTTTTCCAAGGTCTGAAATGCACCCTTTAGCATATGTTTTTCTCTCTTAA  
TGCGATCCTTCTTTTAAGGATTATTGGATCATGATAAATAGATATATCTCGATCTATCGCGGTTTACTGTAAAT  
AAACAGTGATATTCGCTATTTTTTACTATATTTGAAATAACATTTT

>trans\_c\_3492 NM\_202588|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein  
(AT3G15010) mRNA, complete cds

TCTCCGTCATCGTTCCAAGCCTCGGATTAGGGTTTAGCTTACCCTCTTCTTCTCCTCTACTTCTACTCTACACT  
TCCAAGGACCTCCCTTCTTTTTCTCCTATAAGCCATGGACGTCACCAAGAAGCGGAGGATGGACGAAAACGGT  
GTCGACTCCTCCGAAAATTCTTTTTCAAGAATTACTCCGAAGACGCCCCGCAAGATCATTGATCGTTTCACTCCC  
GACCAGCTTATCGATATTCTGCAAGATGCGGTTTCGCGTCACTTAGATGTTCTTGAGGCAGTACGATCGATTGC  
CGACCGAGATGTCTCCAGCGGAAGCTATTTATTCGGGGTCTTAGTTGCGATACAAGTACAGAAGGCTTGCCT  
TCTCTCTTTCTCTTATGGGGAGCTTGAAGAAGCTGTTGTTATTATTGACAAGGCAACCGGGAAATCGAAAG  
GTTATGGCTTTGTAACTTTTAAGCATGTTGATGGTGCTCTACTGGCTTTGAAGGAACCGAGCAAGACAATTGA  
TGGCCGCGTTACGGTGACGCAATTGGCGGCTGTGGGAATTTCCGGCCAGAATTCAAACGCTGCGGACTTGTC  
GTTGAGGAAAATTTATGTGGCCAATGTTCCGATGGATATGCCGGCCGATAAGCTGTTGGCACACTTTTCGCTG  
TATGGAGAAAATTGAGGAGGGGGCCGCTAGTTTCGATAAGCAGACAGGTAAATGTAGGGGTTATGCTTTATTTCG  
TGTACAAAAAGCCAGAGGGTGCTCAGGCAGCTCTGGTGGATCCTATCAAGACAATTGACGGAAGGCAGTTGA  
GTTGTAAATTTGCCAACGATGGGAAGAAAGGGAACCTGGCGGAANGGCAGATAC

>trans\_c\_3493 AY045651|Arabidopsis thaliana AT4g17010/dl4535w mRNA, complete cds

GGGGAAGAACACACAGCCTCTTCGCACTACTTTGTTTCGCTCCAAATGGATTAATGATTTCTTCTAGGAGATCA  
GCTTGAGGGGATTCGGATGGACAAGCTTTTGCAGTTTGGTCGGAGAGCCCTCTTCTACATTAGGGTCCTCTCTG  
GCTATGAAGAGCGGCGGATACGATCGTTTAGATTGGGGCTTGATAAGCGTCTCAAACAGGCGGAGGAAAGA  
AAAGCTGCCATAAGAAAGATGCCAGAACAGGCCATCTTAGGTGAAGTTCGTCGTATGGTTGAGGAGATGCAA  
ACTCTAAATAAACTTTAGAGGAAACAGAATCTGCCATTGAAGAATACTTCAAGCCAATTGACAAAGAAGCAG  
AGGCATTGATGAAAATACAACCTGAAGGAGAAGAGAGAAGTATGAAGGACATGGTTAAAGTTATGCAGCAA  
CAGGCTTTATTTAAACAAGCTGAGGCAGGTAAGGTTACAAATACTCTACAACTGAAAAAATCAACAAACTC  
AAAACCTTGATCTGACACAACCCCTCAAAAACTTAGCTGAGTTAATAATTCTACGAGAAGTTAGAGATTAG

>trans\_c\_3494 XM\_002873800|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1241, mRNA

>trans\_c\_3495 FJ708800|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

>trans c 3496 X99851|L.erecta mRNA for galactokinase

ATACTAATAATAACATAAACTCTCTCTTTGTTGTGGATTTGTTTAAGGGTTAGCCGAAATTTTAGGCAGGATTG  
AAGATCGGAAAAAGTTTTGTATGAGTTTTGATTCTTCATTTCTTCTTAAATTTGGATTCTATATCCATCTTACTT  
TCCCGTTTCTTCTCAATTTGTACATCTTCTTCTTAATTTCTGTACTAAGAAGTAATGGCGAAGCACGAGGACCT  
TCCGATCCCTGTTTTCTTCTCACTCGACCCTGTTTACGGCGATGGATCTCAACTGAAGAAGCTCGCCTTCGATT  
TGATCATCTCAAGGCTAAGTTTCTCCAAGTTTTCGGTCATCCTCCTGATGTATTAGCTCGTTCACCAGGGAGAG  
TGAAGTTGATTGGAGAGCATATTGATTACGAAGGATATTCGGTGTTGCCGATGGCTATTCGGCAGGATACAAT  
CGTGGCAATTAGGAAGCATGACGCGGGAGAGGGGAATCATCTTCTCAAATTTGCTAATGTTAATGATAAATA  
CTCGATGTGTACTTATCCTGCTGATCCTGATCAGGAAGTTGACTTGAAGAATCACAAATGGGGACATTATTTCC  
TCTGCGGGTACAAAGGCTATTACGAGTTTGCTAAATCAAAAAGGACAGGATGTAGGCGTGCCAGTTGGACTTG

ACGTTCTTGTTGATGGAACAGTGCCTACAGGATCTGGATTATCGAGCTCTGCTGCATTTGTTTGCTCTTCTACC  
ATTGCTATCATGGCTGCTCTTGGTGCCAACTTTCCCAAGAAAGAGATTGCCCAACTTACCTGTGATTGTGAACG  
ACACATTGGTACGCAATCTGGGTGGAATGGATCANGCGATCTCTGTC

>trans\_c\_3497 NM\_001064451 | *Oryza sativa Japonica Group* Os06g0571400 (Os06g0571400)  
mRNA, complete cds

CTCCCTCAGCCTTCACTCTTGCTCTCGGAAGAACGCTCCCCTCTTTACAGATCTGATTTTTGAGCGAAACGTTTT  
TCTTCCGCGAAGCGATATGGCTCTGGTCTGCATTCTTGGACTCCTAGCAAAAATGTTTACAAGGTTTTAATAG  
CTGCGGAATACAATGGTGTCAAAGTTGACCTTGCCCCAGACTTCACCATGGGTGTAAGCAATAAGAGTCCTGA  
ATTTCTTAAAATGAATCCTATTGGGAAGGTTCTGTTCTGGAACACCCGATGGTGCTATCTTTGAGAGCAATG  
CTATTACCCGCTATGTTGCTCGCTTGAAGGACAGCGGTTTATATGGCTCTTCTCCAATTGATTATGGACATATT  
GAGCAATGGATTGATTTCTCTCGTTGGAAATTGATAGTCATATTTCAACTATTCTGGCGCCTAGATATGGATA  
TGGTGTTTACTATGCTCCTGCAGAAGAAGCCGCGAACGCTGCCCTAAAACGATCTCTTGGTGCTTTGAACTCCT  
ACCTTGCTTCAAACACATTCCTTGTGGACACTCTGTGACACTGGCTGATATCGTTTTGACTTGCAATCTCTATT  
ATGGATTACCTATATTTTGCCTAAGAGCTTTACTTCTGCCTTCCCTCATGTTGAGAGGTACTTCTGGACATTGG  
TCAATCAACCAAATTTCAAAAAGATAATTGGTGAGGTTAAGCAGACGGATGCTGTCCCACCAAGTGAAAACCTCC  
TGAAGAGGCTGCAGCAGCTGCCAAAGCAAAGGCTGAGCCCAAGAAACAAGAAGAGAAGCCTGCAGCACCTG  
CTGAGGAAGAGGCGCCAAAGCCCAAAGCCAAAAACCCCCTTGACTTGC

>trans\_c\_3498 XM\_002299499 | *Populus trichocarpa* glutathione peroxidase (PtrcGpx5), mRNA

TCTTTTGAATTGCTATTTGCTTGCAATTTGATTGAAGTTCAGCTCCGTTGGTCTTGCAATGGCTACTCAAGCTTC  
AAATCACCCGGAATCCATTTATGACTTCACCGTCAAAGATGCTAAGGGAAATGATATCAATCTTAGTACATACA  
GGGGTAAAGTCTTACTCATTGTTAACGTTGCTTCCAAATGCGGGATGACAAATTCAACTATGTGGAGTTGAA  
CCAATATACAAGAAATACAAAGAACACGGTTTGGAGATTCTGGCATTTCATGTAATCAGTTTGGTGACGAG  
GAACCAGGAAGTAATGATGAGATCAAAGATTTTGTCTGTAGTCGTTTCAAATCAGAATTTCCAATTTTGCACAA  
GATTGAAGTAAATGGAACAATTCTGCTCCACTCTACAAATTCCTAAACTGGGCAAATGGGGGATATTTGGG  
GACGATATACAGTGGAATTTTGCCAAGTTTCTCATTAACAAGGATGGGAATGTAGTTGATCGTTATTACCCAAC  
AACAACACCTCTCAGCATGGAGCATGATATCAAGAAGCTATTAGGCATCTCATGAGCAATGGAACGTCCAAGT  
GCTTGATGATGATCAGTCTCAACATCAATTTGCAACGGATTTTGTATGGTTATTACAACATTGTTGAATTTTGG  
TTGAGAACTTAACAGCGTATGGTTGGTATGATGTAATTCAGATTGATGAATATTATTGAAGATCATATATAA  
TTGATCTGTAATCTATAGAATTCACATAGACATATTGAATGGATCGAAGTACAAGTCTTTTGAACAAAATTCT  
AATTCCTATTCCATTACAAAAA

>trans\_c\_3499 NM\_105572 | *Arabidopsis thaliana* BIM2 (BES1-interacting Myc-like protein 2); DNA  
binding / transcription factor (BIM2) mRNA, complete cds

AGGTTAGTTGAATGGGATTCTTCTGACGGATGCATCCCACTGAAACTCGCTTGTTGTCGGCACCAGGCAAATC  
CGGCCGTCTAAAGCGCCCCACGGCGGCTCCGTTACCATTAAGTGCCTCTGTGCGGCGGAAGCTCTGCTGCT  
CAGCCATGGCTGTTACATCTTCCATTCTTAACATCAAATCCAGCCAAGTTCAACAACCTTCCCTTCTTCCCT  
ACTATTTCTGTTGCGCATCTCAAACAACACCGCACTTCGATTTTGTGCTTGGCAGCGTCTTCGAATTGGTGC  
AATTCTGTAATTGTTCTGTTTCCGGAGCTGTACAAGGAGTTGAAGTCTCGGTACAGAAGGATTGGAGGCTTGG  
ACTGGCCAACCTGAACAAAATCCAAGTATGAGAACGGGGAAAAGCAATCAGGAAGACGACGAGTACGATGA  
GGATGAGCTGGTTGGTAAAAGAGAAGGGCCTTCTTCTACTTCCAACGCTATTAGTAGCATCGGCAACAGCAA  
GATGCGAAGAACAACGATAAGGCTAATGCCATACGGTGAAGCACTCTGTGACAGAGCAGCGCAGAAGAAG  
CAAGATAAATGAGAGATTCCAGATTTTGAAGAGATCTTATACCTCATAGTGATCAAAAGAGAGACACTGCCTCG

>trans\_c\_3500 BT025520|Arabidopsis thaliana At5g52780 mRNA, complete cds

>trans\_c\_3501\_FJ906847|Jatropha curcas glutathione S-transferase omega mRNA, complete cds

>trans\_c\_3502 NM\_180645|Arabidopsis thaliana MLP34 (MLP-LIKE PROTEIN 34) (MLP34) mRNA,  
complete cds

[illegible]

AAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTATCAAACCCCCCACCACAAGGGGGGCCCCGGCCCCCAATCC  
CCCCATAAGGAAGTCAAATTACCCCCCTCCCGGGCCCCTTTTTTAAAACCCCTGGG

>trans\_c\_3503 FJ807469|Populus trichocarpa MYB transcription factor (MYB221) mRNA, complete cds

CAAGAAAATCATACCTTACTTTGTGTTATTCCCAGTTGAAGTACCAATACTACATCCAATTTTGCAGCTACAATC  
TTTACTGTTTTGTAATCCCAAACCTACAAGCAAAACAAAGATTCTTGGGTCCAACAATTTTTTCAGGGTGAGATT  
GATATGGTGGGCTGATTCTGAGTTCTAAGTTCAAATCAGGACATCTTCTTCAATTTGGAAATCTTCCCTTTCTA  
ACTCTTGAAACTCTTCAACAACAACCATGGATTTATCTTCTTCCACTTTTACTTTACATCAGTAGCAGTGAAGG  
AGATTGTTGTTGAAGCTACTTGTCTTGAGATGTTTCATTGATGGGTCTATGAGTAACAGGATCAATTCCTCTG  
TTTAAAAGCTTCCTTCTAATATGAGTATTCCAATAATTCTTAATTTCAATTGTCTGTTCTTCCAGGTAATCTCCAG  
CAATTAAAGACCACTTGTTACCAAGAAGACTATGAAGCTTGATTATCAACTCATCTTCATCTTCAGTGAAATTCC  
CTCGTTTAAGATCAGGACGTAGATAATTAATCCAACGCAATCGACAACCTTACCACAACGAAGAAGACCAGC  
AGCTTTAGGGAGAGATCGCCAACAGCCTTCACCATGAGCACGAATATAAGAAATTAAACGCTCGTCTTCTTCTT  
TAGTCCAAGCACCTTTGTTTGTGTGGGCTTTTTTACAACAAGGAGAACGACCCATTTACAAAAACAAATAGAA  
GAATAAGAAAAAGAAAAACAAGGAAACCCAGAAAAATCAAAGGAAAACCCAGATGGAAGAAGGGTTAAAA  
GTGAAGCAAGGTTGATGAAAATGGCGGTTTAGGGAACAGTAAGGG

>trans\_c\_3504 NM\_116156|Arabidopsis thaliana APG3 (ALBINO AND PALE GREEN); translation  
release factor/ translation release factor, codon specific (APG3) mRNA, complete cds

CCGACGATTCCGAGCTCTTTTCTTCTCCGCCGCCACACAGTGGCTTCTTCAAAAGATGCTCTCTGGAAGTGA  
ACGCTTTGCACCTCCCTCTAGAGCTTCAACTCTTATTTGCATGGCGGAACCTTATTTGATCGTGAAGCTGGAAT  
CTGCGGAGAAGACGTGGAAAGAATTATCGGTTAAGCTGGCTGATCCAGATGTTGTCTCAAACCCACAGAGT  
ATCAAAAAGTAGCTCAATCAATGTCAGAACTTGATGAGGTGGTATCAACTTTCAGAAAATTCAAGGAATGTGA  
AAGGCAGTTAGAGGAGGCCAAAGCCTTATCAAAAGAGAGTGGGAACGACGAGGATATGGTAGAGATGATTG  
CTTTAGAAATCAGTTCTTTATCCAGTGAGCTCAAAGATATCGAAGAGAAGCTTAAGGTGATGTTGCTTCCATCT  
GATCCTCTTGATGCAAGAAATATTATGCTTGAAGTCCGGGCAGGTACAGGTGGTATGAAGCTGGAATCTGG  
GCTGGTGATCTGTAGGTCCGTATGTACCAGAAATACAGCGAGCGGAATTCTTGGAAGTTTTCCCTGTTTCA  
AGTTCTGAGGCTGAAAAAGGTGGATACAAAAGCTTATGTGTTGGAAATCAAAGGACAACGTGTCTACAGTAA  
TTGAAATATGAGTCTGGTGTTCACCGGGTTCAACGTGTTCTCAAACCGAAACACAGGGCCGTGTGCATACTT  
CTACTGCTACAGTCGCCATCATGCCAGAGATGAAGTTGAAATAGTGATTGACCCAAAGGACATTGAACTAACT  
ACTGCAAGATCTGGGGGCGCAGGAGGGCAGAATGTCAACAAGGTGGAGACAGNCATTGA

>trans\_c\_3505 AF243368|Glycine max glutathione S-transferase GST 13 mRNA, complete cds

TCTCAATCCTTTTCATTTAGTGAAAGAAAACAAGAACAAATTACATGGCCGGAGAAAATCAGGAAGTGCAAG  
TTTTTGTTTTCCGATTAGGTCCGTATAGTCTGAGAGTGGAATTGGCTCTCAAACCTCAAAGGCGTCGTTTACAAA  
CATATTGACGAAGATTTGCTCAACAAAAAGAGCGATTTGTTGGTGAAATACAACCCAGTTTACAAGAAGGTTT  
CTGTTCTTGTTTCATCATGGAAAACCCATTTAGAGTCTCTTGTAATTCTTGAATACATCGAAGAACTTGGACG  
CAAAATTATACCATCTTGCTAAAGATCCCTATCAAAGAGCTCTCGCCAGATTCTGGGCTAAGTATATTGATGA  
GAAGGTTGTACCTGCAGTACAAAAAGTTGCAAGAAGCCAAGAAGACGAAAGAGAGAAGAGCATAGAAGACG  
CACAGGCGGCACCTTGAACCACTTGAGGAAGAAGCTTAAAAACAAGTTGTTCTTTGGAGGAGACACAATTGGAT  
TTGTTGACATTGCAGGCCTAGTTTATAGCTCGTTGGATTCTGCCACCGAAGAAGCCGTAGGCTTTGAGCTTTTA  
TCAGCCCACAAGTTTCCAATCTAACTAAATGGAGTCAAGATTTTGTGAACCACAGTGTTGCAAAGGAAGTTT  
GCCTGAAAAAGATGTTCTAGTTGCCTTCTTGAAGAATGTTGTGTTTAGTACAAAAAGTAGGACATGATGATA



ATGATCAATGCGAGTGAAGAGGAGTTGTAGTATGAGTTTGGATTTGTAGTCCTTTTGATTATGTTTATTGTAT  
AACTTTCTATTGGGAGTGTGAGAGTTGTTTTTTTCCAAAAATTGTATTTATATC

>trans\_c\_3506 GQ917180|Glycine max cultivar Kefeng No.1 alpha-form rubisco activase (RCAalpha)  
mRNA, complete cds

GAATATCACAAAACTTTTGAGACACTAGTCTGTTATCTACCAACACAAACGAAATATCTCAATATTGTGGCAA  
CAGGTAAAAAACAAAGAAATAAGAACTGAAACCCACACCAACTTTAAAGCATAGAGTAAAGCTAACCGGTG  
GATATTTTCATACAAACAGGAGACAGTATTTTCCTAATTAAGCATGAGTGGAAAATGACCTTCCACTTCACAAC  
TAAAAAGGAACCTAAATACATAATTGCAGCTTCCATCATCACTCCTGGCTGTTGGGTGCAAGTTATCTGCATT  
TGGGTCTGTACATCCTTCAGGAATAGGCAAACTCACCTGCTGCGCGGCTTTGCCATAGAATGTGCCCTTTTTA  
TGGCGTCTTCATTGGCATCTCCAAGAGCGGCCTCGCTCAAGTACTTGTGAGCCAATTGGACTCTCTTCACATTC  
TCTTGTTCTGAACAAGCATGTTTCCATACTCGAGGAGCTTCTCTAGGGTCATCTTTGGCTGCTCTAATGTTGGT  
GGTCTTCTTTGAGTTGACAAGTTTCTTAGCGATATTCTCTACTCCGACTGAACTAGCCCACTTCTCACTTCA  
TCGTCGTATACTCTTGCCCTTAGGGCACCAAGAAATCAATGGATTGGCCAGGGAAGGTATCAACAAGCTTGA  
TGATGTCTTCTTTGGGAATGTTGTCGCTCCTAAAGATTCTGAACACACACCAATTCGATCTTCCCGAGTAGGT  
GCCCAATAGAATTTTTCCATACGACCATCACGGATGAGAGGAGCATACAACGTCGAGAAGTCGTTACCCGTCA  
CAATGATGGGAACACGAGGGTTCTCCTCTTTGTTGCCGAGAGTCGTT

>trans\_c\_3507 NM\_179684|Arabidopsis thaliana RD2 (RD2) mRNA, complete cds

CGACCACCATTTTAAATCCCCAATCAACACCCCATTTACCGTCTCTCCGATTCAATTCCACAATCCGAACATACT  
CACTAAAACCCCAAATCCCATTGATACCTTTTGATCGACTTGTTTCTCCATTTCCATGGATACATTAGAGGAGGA  
AGAAGAATACAACCTGGAGAGAAGTCCGGCTTCCGTCGCTTATCCCAGTGGTGCCGAGCCAGAGCTAGAGAG  
AGAGACAGCGGAGAGACGCCGCGGGCGAGACATCCTTATCGCCGTCGATCACGGTCCCAACAGCAAGCACG  
CTTTCGATTGGGCTTTAATCCATTTCTGCCGCCTCGCTGACACCATCCATTTAGTCCACGCCGTTTCCAATGTGA  
AGAATGAATTAGTTTATGAGTTCAGCCAGGGATTGATGGAGAAGCTTGCAAGTGGAGGCCTTTGAAGTGGCCA  
TGTTTAGGACTGTGGCAAGGATTGTGCAAGAAGATGCAGGGAAGGTTATTTGTAAAGAAGCAGAGAAGTTG  
AAGCCTGCTGCTGTTGTTATGGGCACTAGAGGAAGAAGCTTGATTCAAAGTGTTTGCAAGGAAGTGTGAGT  
GAGCATGTCTTCCACAACCTGCAAATCAGCACCTGTTGTTATAGTTCCTGGGAAAGAAGCTGGAGAAACATCTG  
TGATTTGAATCTCAACTACACTTGTTGAAGCCTGAAATGAATCTACAATGTCTCTTCATCAATCTCTGTTTTCT  
TTTTTGTTTTAGTGTTAAAGTTGAAGGTTGTAAGAAGAATTTGATATTGATTTATATGTTTATATATATGTAA  
TGTATAGTACTAAATTTCCACCATCAAAGTTTACTTACTAAATATGATTGTGC

>trans\_c\_3508 XM\_002315347|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

TTTGC GTTGT GTTGCCATTGCATATAGATCATATCAATTGGAGAAGATTCCAATAGATGAACAACGTTTGGATC  
AATGGGATTTGCCTGCCGATGATCTTGTTTGTCTTCCATTGTTGGTATAAAGGATCCTTGACGCGATGGTGTT  
AAAGAGGCTGTTAACTGTGCACACATGCGGGTGTCAAGGTGCGCATGGTCACCGGAGACAATATACAGACT  
GCAAAAAGCTATAGCAGTTGAATGTGGAATACTAAACCCAAATGAGGATGCTTCTGAGCCTACAGTAATTGAA  
GGAAAACATTCCGTGCATTGTGCGAGAAGGAAAGAGAACAAGTTGCTCAAAAATAACGGTGATGGGGAGG  
TCTTCGCTAATGACAAGCTGTTGCTTGTTCAAGCATTAAACAAAGGGAGGGGACGTTGTTGCTGTGACTGGAC  
ATGGGACTAATGATGCCCCTGCACTCCACGAGGCAGATATCGGTCTTCTATGGGCATTCAAGGTAAGTGAAGT  
TGCTAAAGAGAGTTCTGATATTGTTATCTTGACGACAACCTTGCTTCAGTTGTAAAGGTTGTCAGGTGGGGG  
CGTTCTGTGTATGCGAACATTCAGAAATTCATCCAGTTTCAGCTCACTGTAAATGTTGCTGCTCTGTGATCAAT  
GTCGTTGCAGCTGTGTCTTCTGGTGATGTTCTCTGAATACCGTGCAGCTTCTCTGGGTAACTGATCATGGA

TACACTTGGTGCTCTAGCATTAGCCACAGAACCACCAACTGACCACCTGATGCATCGGTCGCCTGTTGGGCGT  
AGGGAACCCCTTATAACGAACATTATGTGGAGGGATTGATTGTGCAGGCTTTGT

>trans\_c\_3509 XM\_002892956|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

TTAATCGATAATTTGAGAATGTGTAGGTCACTGATGCCTGGTGATGATGAAAGCATGAGTGATGAAGCAATAT  
GGGAGACACTGCCTCACTTTTGGGTTGCCATTTCAATGGTCTTCTTTGTTGCTGCTACAGTATTTACTCTACTGA  
AACTTTGTGGGAACGTTGGTGCCCTTGGCTGGTGGGACCTGTTTATAAATTTTGGCATTGCCGAGTGCTTTGC  
ATTTCTTGATGTACAAAGTGGTCTAATCCAGCAATTCATAGAAATATTCAAACAAGAGAACGTTGTTTCATCAT  
CATCAGTAGTTAGATATCTAGATTGGAACAGTGGTCTAATAGTTTATCCAGAGCAGGATCAGCATCAGGACAG  
AATTTGTGGCCTTCAAGACATTGGAGGACATATTATGAAAATTTCCATAATTGTTTTCAAATTTTACTCTGCAT  
GTATTTAGAGGGAACGCCTGCCGCTGCTAAAAGTATGCCACTTCCCATCCTTTTCTCGCCTCTTTTATATTGCA  
AGGTGCTGCTGTTATTTACGCTGCATCTAGATTGTTAGAGAAAGCAGTACTTCTTAAAGAGGCGGATCTGGC  
ACAGCATTGTATTTAGTTTTTCAATTAGGGCTCATGCCTGTTTGGAGTTTTTTCATCATGGTTCAAGGCTATTG  
GGATGGTGGTCAATTGATGAAAGCAGTCGAGAGGAGCAGGCACGATTGTACCACGAGGGTGCATCTGGGTA  
CAATACTTTTAGTGGATATCCTCCTGAGGTTGTAAAGAAGATGCCCAAGAAAGATCTTGCAGAAGAGGTGATA  
TGATGTTAGCATTATGTCAATATATGATGAGTTGTGTACGGTCAAGGTG

>trans\_c\_3510 XM\_002307094|Populus trichocarpa shikimate kinase (SK2), mRNA

ATCACAAGCCCCCATGTCTCTTCCGTCTGCTCGATCGCAAGCCCCCGTTCATCGTGAGCCGCCGCTGAAGACGT  
TACGTTTCGTTTCGCTGCTAAAGACGTTGTGTTTCGTCGCCGCTGAAGATTTGGTGTGTTTCGTCGCCGCTCGTTCA  
GAACAGGTTTCGTCGCCACCGTTACAGTATTGGAATCTGGAAACCATTGTGCTTCTGTTGATGAGTCTTTGGC  
TATACAGGGGGGACAAAGTTGTCCTATTAGTTGTTAAAGAAGAGGAGAGTCGCAACCACTATCTCTATTATG  
AGAATATATTCCAGAATCCAAGGATAAACCTTGAGCCACGTCGCGGTGAGGGACGAGATAGCTTTATCAC  
CAAGGCCTTCTTCATTTCTGGAGTTTCTTCTTTATGAGCATGAGATGCACTTTTTTTTTTTTTTGGACTTATAT  
GCTTAAGACCACTGCTCTCTGGACCGCCACGGATAAAAAAGAAGAATTAGGCCCTTCACCTCGAGCATCCT  
TGCTTTCTTTTCTCCTTCTTTGAATCGCAAGTGGGAAGGTAGGTGGAAGGGAGTCGGAAGTTTTCTTCTCAA  
CCCCACGAGGTGCCCAAACCTCAGGCCTTTTGATCTCGATGAAATTGAGGACTAGCATATTTTTCATCTCTTTG  
CTCACCGGTCATAAAATTGCAGAGGAAGTCCCGGGAGATTGAGTCATATTTAAATCAGCGCTCTATATATCTT  
GTTGGAATGATCGGCTCCGGAAAAACAACGTGGGAAAAAGTCTTGTCAAATGCACTTGTTACTCCTTTTCTA  
ATAGTGATTCATTGGTGGGAAGAAGACACAGTCCGGGAGTGTGCACAAAT

>trans\_c\_3511 AF211540|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 75 (ACRE75) mRNA,  
complete cds

ACCAGAAAAAAGAGAATTTAAATGATTGAACAACAACAATGCCAAAGAACAACCTTGATGATCACTAG  
CAAATAAAATATCATGCGGCGGCGCCAATGGCAAGATCCTCCAACCACGGCGGCTGTAGAGGCGGCGGCGT  
CTCTCAATGTCGGAAACACCCAAAACACAAACAATCACCGGGGGTTTGCTCTGTTTGTCTAAGAGAAAAGCTT  
TGTAATTTGACAATTACTAAAACACCCCTTCTCTTCTCTCTCTTCAAAAATATTACCTTCTTTTTCATCTTC  
TTCATTATCGTCTTATCCTTCTACTACTCATCTTCATCTCTTCTTCTTCATCACCATATTTTCAACAAAAAA  
ACCTTCGATTTCTTCATGTCCAGCTTGTTATTCAAGAGAAGATGGTCATCCTCGTTGTCGTCGTCGTCACAGC  
AACAACCAACACTAATTTCTTTGGTCATCATAGAAACAATAACAAATCCGGCCATGATGGGTTTTGGTCCAAAT  
TGATGATGAATCGAAGAGGAAAAGAAATTGTTGAAGAAATTACTTTGAGGTGTTCTTCAACTTCTACAACAAC  
AGATCATCAAACAATTACTACTGCCTAGCTATTGAAATAATAATTATGTAATTATTGTTTTTCTATTTTTTTAG  
ACAGATCTAGTTAGATCTTGTAACTTTTGATCTAGTTGAATGAGATTAAGAAAAAATATATATGAAATAG

>trans\_c\_3512 AF227626|Euphorbia esula 40S ribosomal protein S11 mRNA, complete cds

>trans\_c\_3513 AF428357|Arabidopsis thaliana At1g74450/F1M20\_13 mRNA, complete cds

>trans\_c\_3514 AY108858|Zea mays PC0067358 mRNA sequence

ACGCCGTTAAACCCATCTCTCTTCCCAACCTTTTCTCTTTTCTCTTCCCTTCTTCCAAGTTTCGACCGTCTTTCACCGCC  
GCCGCCTCATGTATTTGGCATAACCACCACCTGTCTCCATCAACGTAGCCCACTACATCTCTGTGAGAACGA  
CAAACAGAGGGAAATGAACTCGTTGGCGCGGAACATTTCTGTCTCCATCAGATCTTCGATTCACACCAATTGT  
CTACAGTACCAGCAATGGAGGGGGATCCGGGTGAAGGTATTGAAAGGGGGTCTAGAGCGGGCACTGACAGT  
TCTGCAAAGGAAGATGCAATCGAGCGGAATCGAGCGACTGATTAAGCGTGAACAAATTCATCATATCAAGAA  
TTCCGAGAAACGGGTTTTGGCCAGAAAGACTTTGGAGCGCAAATTCGATCGCAGGACCTCGCTCGAAACTC  
AAAGACATCCTTATAAAGAAAGTCAGGGGTGTAAACATCTGACTTTTGCAATATAGTTGGCATTGTTGCTCCCTT  
TTCTTTGGATCCCTTCTTAACTCTGGATTGGCTGCCTCTTAGAAGTGCAATTGAAGCTCCTTTATTCAGCAGGA  
TAGCTCCAGTGAGTTTTTTTTTTCATCTATATTGCTTCTATCTATTTTGTATTCTTATACAGTGAGCAATTTTC  
ATGCCACTATGGATGCTTCTCAACCACTCTGACTTACTCCTTGATCACTTTTTTACCACCTGCACTTTTGTG  
ATTTCTGAACTTCGTGTTTTGAAATACTATGAATGATGTAATGGTCCATATAGCTCATGAGCATAATAAAAAGG  
TTTAAAGAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3515 NM\_121687|Arabidopsis thaliana ATP binding / protein kinase (AT5G16810) mRNA, complete cds

AGAGAGTGGACGAGTAGGACGACGCAACCCAAAGAACTGGAAATGCTCCTCCCCAAACAATTCCATTACTTCC  
TCTCTTCTCCTCTAAGCTTCACTTCTTCAAGTCCCCAACCGATGCTAATTCTAATTCCTCTCGCTCTCCCGTTCT  
CCAAATCCCGCAAGAAGACGGTTGTTAACAGGGAGAGCAAGTCTCATCACCAACTCACACTCCTTCGAGGTCTG  
GACGCCTCATTGGAAGCTATGGCTTCATGAATATCACCAGCTATTGAGGATTTCAATCAGGGGAAGACGTTGA  
ATATTCTTCTGGAGACTTAGGGCAATTGAGAGTTCAAGATGTAGGAGAAGGAAGTGTAAGATCAGTTCTTCT  
GCAGGCTTTATGAAGGAAGAGTTTCTCAGGGTTCTCGTAAAGGAAGTCTCTTATTTTAAAGGTGTATCCTGGA  
AAGCGGGCTGGTGGTCTTGAAGCTGATATGATGGCTGCAATGAGCTAAATGCCCATGCATTTCTCCAAAGCA  
GTTCAAAGGACATCAGCTCGAATCTTCCCCTACTTATTGGTGGATTTGAAACAAAGACTGGGGAGCAGTGGCC  
AGCCTTCCGTGATGATGGAAAATATAGCGCTGCAGATTATGGAAAAATAATGGGTGAAAGGATTTCCAAAAG  
GATAGAAGAAGTCTCATGGAACCTTACGAACAAGAAGAGTAATCAAGCGCAGGAGAAATTTTGATCAG  
GATGTTTCAGGGCATAATGAGAGGTCTTGTGTTTATGCACAACCGCAACAGACTACACCAAAGTCTTGGACCA  
TCTCCGTAGTACTCAATACAATTGTTTGAGAAAGATGCTGCTTACTTAATCC

>trans\_c\_3516 XM\_002878510|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata forkhead-associated domain-  
containing protein, mRNA

ATTGTCGAATCACTGAGTCTCTGAAACCTCTGCAGAATTTGCACAGCTATGGAGTTGGCCGTCCATTCTCTCT  
TTCCTTCTTCAATTATTCCAATTCCTCAACCCCATCCCTACATCGAAGCACACTCTCCGGCCTTTGCCATCGTTA  
TTGCCCCGTCTCAGTCTCAGCATTGAGTTCCGGCCAAGGGGACGATCGCTTCTTCGACATATACAAGCTTCTTC  
CCGCTGGCTTCTGGTACCCGTGCGCGATGGAGAGTGGGAAGCATATAGGTTCAAAAGTAGAAATGCCAGATGC  
TTTCGAAATTGTGTCGAATGAGGTCACTGTTGGCCGCTTCTGATAAAGCTGACATTGTAATTCCGGTTGCTA  
CAGTCTCGGGTCAACATGCTCGTATCAAAAACCAAGAAGACAAGCTGTTGGTCATAGATCTAGATAGCACCAA  
TGGGACTTTCATCGACGACAAGAGGCTTAACCTGGGGTGTGCTGCTGTATCATCTGGCAATTGCATTACTT  
TTGGGGACATCCATCTGGCCATGTTTCAGGTCTCAAAGCTGAAAAGTGTGAAGCTGCAAGCAAAATCCAAGA  
AGAAACTGAGGAGCCAATCAGTGATTCTGAAACAAGTTGAGAGAAATGCCAGATTTTATGTGCAAACATCTG  
CACATTTTGTATTCTAAAACCTTTGGTTCGGACGAATTTTCCAATGAGTTATCTGATTGTTCTGTTTGTGTTAG  
AGACCCAGATCAGCACCTCTACTGAATTCCTTTGCTAAAAAAGAAGGCAATCTTCCTTCATTTTGGTGCCAG  
TGTCCTGTAATTGAATGCCAACTCCTCTTCATTATTACAAAAA

>trans\_c\_3517 FN395069|Malus domestica mRNA for phloem protein 2 (pp2-3 gene), cultivar  
Florina

GATATATGTATGTATGTATATCAACAAAGTAAAAGAGGAAGAAGAAAAGCTTCAATTATTAGCTACAATTACC  
AAAAACTAAGTTGATTGATGTCTTTTCTACGTTGGAGACGAACCAGAATACCTTCCGATCCTCACTTTCGGGCT  
AATGCTTCTGTAGAACTAGTAGTGATAACAAATTCAAAGTTTATCCAAGGGCTCTAAATATTACATGGGGTA  
ACGATAGACGATATTGGACCATTCTGGTCGAGACCCGAACAACTATGATGAAGATAAGAATTATTTTGCTGA  
GTTAAAACAAGTATGTTGGTTAGAAGTAACAGGTTCAATCAAGAAAGATCTTGTGCCTGGAAAAACCTACAAA  
GCTTCTTTCGGTGTCTCACTAAGTCCCGATGCTTTTGGATGGGATGATTGTAGCGTTTACATAATGGCTAAGAT  
TGGTAAAAAGGGAAATTTCCATTTCAAGAAAATGAATCTTACAACCATACCTACTACAAGTACTGATGTAAAA  
ATTTCTTTATTCTACTCCTGGGGATGATTTGATTGTTCAAGTCCCTCTACCCAACTGATAATGATCTAAAT  
CTCTACTTTGGTCTCTATGAAGTTTGGACCAATAGGTGGAAGGGAGGGTTGAGGATCCATTATGCATTGGTTG  
AGATGGTAATACATAATGATACTGCAATACCCATCGCAACACAATAGGTGACCACTCACATATATTTAAATGAT  
TATGGAAGGGCACATGTCTTGTCTGATCAACATGCATGTAAATCTTCAAATTCTGTAATCCATGCATATC  
ATGTAATAAAATCTGTCATGTGGGTGTTTATCTAATTTTAATTCTT

>trans\_c\_3518 NM\_129784|Arabidopsis thaliana rhodanese-like domain-containing protein (AT2G42220) mRNA, complete cds

ATACACTCAGAAGCTCAAAAATGCTTAATTCATCGTCTTTATCTCATACAATGGGAGGAATTGGGCCTTGCTGT  
TCAACTCTTCCTTCAAGAAGCAACCCAAGGACATCCTGGTTAACTTTAAGGACTGTTCTCATAGAAGAACCTA  
TCCAGGGAAACAAGTTCTTCAGAGAAAAGTTGGAATTAAAGCTGAAATAAATTTTGTCAATGCTGAAGAAGCC  
AAAAAACTAATTGCAGTTGATGGATACGTAATCGTTGATGTTCTGGGACAAATCGCAGTTTCGATCGAGCTCACA  
TTAAATCGTGTTACCATGTCCCCTTTTCATTGAAAACCAAGACAATGATCTTGGAATATCATAAAAAGGACA  
GTGCACAACAATTTTTCTGGTCTCTTCTTTGGATTGCCATTTACAAAACCCAACCCTGAGTTTGTGCAGTCTGTT  
AAAGCCCAGCTTTCACCTCAAAGCAAGTTATTGCTAGTTTGTGAGGAAGGATTAAGATCCACTGCTGCTGCCG  
ACAAGTTAGACAAAGCTGGTTTTGAAAACATTGCTTGTATAACTTCAGGACTCCAATCTGTAAAACAGGCAC  
ATTTGAATCGGTTGGTTCGACCGAATTACAAGATGCTGGGAAAGCCGGTTTGGTGACGATCCAAGGCAAAAT  
TTCAGCTGTATTAGGAAGTGTCTTATCTGTGCATATTTATTATACTTTGTTCCAGAACAGGCTGAGAAGCT  
GCTTCAAATGGCACCAACAAGTTAACTTCTTATATTGTCTAAACATTAACCCTTTAATTTTATTTTAATTAATT  
TTCTTTTAGTTTAATTTTGTTTAGATATTTATTCTTAATTGCTGT

>trans\_c\_3519 BT005865|Arabidopsis thaliana At1g23710 gene, complete cds

ATAGTTATTATACTTGCCCTTTCCCCACCCCCTCTTCTCATACTCACAAGAAACGAGTTCCCAATTTTTCATTT  
CCCACCTCCGAAACCCTAATTCTGTGCGCGACATGAACCTCGCCCAACCCCAGCACATCGAAAGCGACCTTCAA  
GTCGAATCCTTGGCTTTCCACGACAAATTAAATCTTCACAACGGTGAACAAGATGAAGAAGATGAAGGTGATG  
AAGATTTCTCCTTTGTGTGCGTCAATCCTGATGCTTCTCCCAATCAGCGCCGACGATGCCTTCTATAACGGCC  
AGATCCGTCCCGTTTACCCACTCTTCGATCGAGACCTCCTCTTTGTAGACGAAACGCTTCCGCCGCCCTTGAGG  
AAGGTGTTCTGTGGAAGAGCCTGATACTGATCTGGCATCCGTATCGGAGTCGGAGGGAGCTACTGAGGGCACC  
TACTGCGAGTGGTCTCCGGCGACGGCAGACCTCGGGAAGAAGAGCAACTCCACTGGCTTCTCCAAGCTTTGG  
AGATTCCGGGACTTTATGACGGTGCACCGAAGCAGCAGTGATGGCAAAAACGCCTTCGTTTTCTTGAGCAATA  
ACCATCCCTCCACCACCTCTAGGAGCAATAACAGTCCCTCCACCACCTGTAGTTCCAGTTCCCCCAATTCTTCT  
CCAAAAACAGCAGCCCCACAAGCAGCTTCCACCTCAAACATCATCTCCCCCATCAGACACACTATGTTAAA  
AGCAGAGCCCAGAAGAAGCAAGTCCACAAACACAAGTCTATCTCCCTACCGCCAGGATTTGGTTGGCTTCT  
TCACCACCGTCAATGGATTACCAAAAAATGTCCATCCTTTCTAATTC

>trans\_c\_3520 NM\_129801|Arabidopsis thaliana protein kinase C substrate, heavy chain-related (AT2G42390) mRNA, complete cds

AGACCGGCACTCCGATAGTCAAATCTCCGGACTGACTTGCTATTGTCCTTCACTCCTTCATCAATTTACCTCCT  
CCGGTTGCATTGAAGCTTAACCAGACATGGAAGCCCGCTCTCCAAAGTCTACCTCTTTCGTTTCGCTGCTTTCC  
ATCTGCTTATTCTTCACTTCTGTTGCGCTGCTCCATCATTCCTCGGAGTTCACCCCTCGATGAGAAGTATTATT  
CCTCCGAGGTCATAAAATGCAAGGATGGTTCTAGATCTTTCACTATAGATCGTCTTAATGACGATTTCTGTGAC  
TGCGTTGATGGAACCGATGAGCCTGGTACATCTGCCTGTGCAAGAGGGAAATTCTATTGTGCGGAATATGGGA  
AGTACACCGCGGTTTATTTTTTCTTCCCGTGTCAACGATCATATATGTGATTGCTGTGATGGAAGTGATGAATA  
TGAGGGTAATATCTTTTGCCGAACACTTGCCTCATGGGGGGGAATATGTACAAGAGCAACAACGATGTTTCA  
ACTACTCGAGATGTTGATATAGTCATCAGAAAAGTTAAGGAAGAAATCACTAAGGAGGACTTGTCCAAAAGC  
TAACTGGTTTGAAGCTAGTAATAATCCTACAGGTAGCTCTTACAATTTTTGCAATCCTCATTTGGGCAAACCGTT  
GTCGTGTGAAATCTAAGAGAAGACGACACCGTTGAAGCGAGCGGCAATCGTCATTCTTAATCTTCACTGTAA  
TCCCAAGTAAATTTTCTGGTCCATATATACTTCTCTAGGCTATCCTCGTAATCTAAATTGTTTATCAATCAATA  
TCCATTCATTCTCCAAGCTTTCTCTATCAGCACCGGTTTCATG

>trans\_c\_3521 EU714073|Thellungiella halophila ST45-109 mRNA, complete cds

GGCAGACGGAACCGGCGTCCTCTCTTCTGCTTCAGCATCTCCCTCCACTCGTTGCACCACAGATGGCGAACGTT  
CCGGGGCAGTTGGTATGGGAAATCGTTAAGAAGAACAGCTCTTCTCGTTAAAGAGTTTGGCAGAGGCAAT  
GCCAGTGTTCATTTAGCAAAGAGCCTAACAACCTCTACAGCCTCAACTCCTACAAGCATTCCGGGTGGCAA  
ATCTTAAGACGGTCACCATTACGCCTGGAGGCAAAGATTGTGAGTACTGCTCGCGACATCAAAGACAAAGAA  
GCAGAACAAACCAGCAAATTCGCTCCACAAATCCGTCATGAGGAAGGAATTTCTCGCATGGCCAAGGCTGT  
GACTAATCAGGTAATTAGCGTCTCCAGATTTTCTCGTTGATGCCCATCGAGATGAAATTTGTGTTTTGAAGTC  
CGAACATTCTTACCTGCTGTCCATACTTCCCGTAGTTATCATTGGCCGTGTATGGTTTCAGTCATCATGTAATTA  
TTCTGCTGAATATTCTGTGGCATTTCCTCGTTCAATCTTTGGTACAGGATCTGAGATTCAATTTTCATCAACAC  
CATAATGTTAACACGTTGGATGCTATGCTTTTCTTCTCTTTTAGGTTTAAGATTAAGAAGTAGCCAATAGTGT  
TTTTCTGTTCTATAGTTTTATTTGAAATTGGGTTTGATACAAATATGATACTGAATGTGCATTGTTGCGGTGACG  
AGAAGCTAACATGTAAGGAGGGCTGCTTTGTAGCAGCATCTTCGATGAAATATATTTGTTACGCTTGGCTTCT  
GAGCACAATTTTTCATTTTCTACCATGTCATGTTAGGAGGTTACTT

>trans\_c\_3522 HM122465|Malus x domestica BZIP domain class transcription factor (BZIP13)  
mRNA, complete cds

ATTGCTGAGGCTTCTGGGAATACACCAGGCAACATGGAAGGGGAAGGTAAACCATCTGAGCTGAAAGAAAA  
ATTGCCAATTAAGAGATCGAAAGGAAGTCTGGGAAGTTTAAGCATGATAACTGGGAAGAACAATGAGCTTGG  
TAAACCATCAGGGACATCTGCTAATGGAGTTTATTCTAAAAGTGCTGAAAGTGAAAGTGAAGGCACGAGTGA  
AGGAAGTGGTGCTGACTCTGAAAACGATTCACAACTAAAATCTGGTTCTGGGAAAGATTCTTTAGAAGGTGG  
AGGGACTCCTAATGGTTTAATGCATGGTTCTCAGAATGAAGGACATAGTCTTGCACATCCATTGGTGAACCAA  
ACGATGTCCATAATACCAATCCAAGCTTCAGGAGCTGTTTCGGGTCTGCTACAAATTTAAATATAGGAATGG  
ATTATTGGGGTACCCCAACAACCTTCTGCCATCTTTCATTGTGTGGGAAGGTCCCTTCAGCTCCAATTGCAGGA  
GCTGTTGCTGCTGGGTACGAGACGGCATTCCGTCACAGCCTTGTTACAGGATGAAAGAGAGCTAAAAAGA  
CAAAGAAGGAAGCAATCAAATAGAGAATCTGCTCGTAGATCTCGGTTGCGTAAACAGGCTGAATGTGATGAG  
CTATCTCAACGTGCCGAAGCTTTGAAGGAAGAAAAATGCGAGTCTAAGATCTGAAGTGGATAGGATCAGGACT  
GAGTACGAGCAACTTCTTTCAGAAAATGCCTCTCTCAAGAGGAGGCTTGGCGAAAGTGATGGAAATGAAGAT  
CCAAGATCTTACCAAGACGGGCAAAATTTGAAAAAAGGTCATCATACATCCCCGGCCCAACTT

>trans\_c\_3523 EF685346|Eriobotrya japonica cinnamyl alcohol dehydrogenase 1 (CAD1) mRNA,  
partial cds

CGTCATCTGTCAAGCGAGTTGTCTTGACATCTTCTATGGCTGCTGTTGCTTATAATGGACAGCCTCGCAATCCT  
GATACAGTAATTGATGAAACTTGGTTTTCTAACCCTGAGATTTGTAAGGAACTGAAGCTTTGGTATGTGCTCTC  
CAAACTTTAGCCGAGGAGGCAGCCTGGAATTTTGTAAGAGAAAAGGGAATAGATATGGTTACAATAAACCC  
GGCTATGGTTATTGGTCCATTATTGCAGCCAACACTGAATACTAGTGCCGAAGCTATTTTGAAGTTAATATCCG  
GAGCACAAACATTTCCAAATCCACATTTGGATGGGTTAATGTCAAAGATGTCGCTAATGCACACATTCTAGCT  
TATGAGGTTCCATCAGCCAATGGAAGATACTGTCTGGTTGAAAGCGTGATTCACTATTCAGGAATTGTCAAGA  
TATTGCATGATCTCTACCTTCACTTCAACTCCAGACAAGTGTGCCGATGACAAACCGTTTACACCCGTGTATC  
AAGTCTCAGTTGAGAAAGCAAAGAACTTGGGCATTCAATTCATTCCTTAGTAGAAAGCCTGAAGGAACTGT  
TGAGAGCTTGAAGGAAAAGAATTTATCAACTTCTAACTTTTAGGTATCTTGAGAGCCATGAAATTGTTTGAA  
TTTTCTGACAGAAAATGATTTAAGTAAAAAAGTAAGTGCTTTGTGTGAGGCCCTGAAATTGAACTTTACTCGA  
TGACTTCTATGATTTTCTATTAGTTAAGTGTAAATAAAATTCTCCATGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3524 M11318|Soybean (Glycine max) low MW heat shock protein gene (Gmhspl7.5-M)

AAATTTCCGTATCAACAAGATCAATCGAAGCGCTATCAAATTTCCCATCCAAGTCGATTTTCAAGTTCATCAAA  
CCAAAACCTAAGAAGATGTCGATGATTCCAAGCTTTTTCGGTGGCCGACGGAGCAGCGTCTTCGATCCATTTG  
CCACGTTTCGACCTCTCGGATCCATTTCGATTTTCACTTCTCTTCAATCTCATCTCACTTTCCCGAAATCGCTCG  
AGAAACTTCAGCTATAGTGAACGCTCGTGTAGATTGGAAGGAGACGCCGAGGCTCATGTTCTGAAAGCCGA  
TCTGCCTGGACTGAAGAAGGAGGAAGTGAAAGTGGAGATCGAAGACGGAAAAGTGATTAGATTAGCGGCG  
AGCGGAGCGTAGAGAAAAGAGGATAAGAACGAGAAATGGCATCGAATGGAGCGAAGCAGTGGAAGTTTAA  
GAGGAGATTTAGGATGCCGGAGGATGTGAAAATGGAGGAAATTAGGGCATCAATGGAGAACGGAGTTCTAA  
CTGTGACGGTGCCTAAGGCGGAAGAAAAGAAGGCGGATGTGAAGTCTGTTGAGATTTCCGGCTAAACAAATT  
GAGAATGTTTGAATGGATTTTGTGTTTTTGGTTATTTTGAAGATGTAAATGTATTGCGTTGTGATTTTGAATC  
ATAATCTTAGTTTTCTTTTTCTATTGAGATTGCTTAATACTTAGACGCCAAATTGTAGTTCATTCTCTTAAAA  
TCTCCATTCTGATATAGTATTTTGAAGTTAATGTCAATCCTAGTCTGAGTTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3525 NM\_001049423|Oryza sativa Japonica Group Os01g0319400 (Os01g0319400)  
mRNA, complete cds

AGTTACCTTTCATTATTTAATTTGCTATCTACCAACATAATTCTTCCATATCAATTTCCACAAATTCAAGGTGTAC  
TTCTTCATTTTCTTTATCTCTTTTTTTTTCAGTTTAATTATTATCTCTAAAACTACTACTCATTGCAATTATTCAAG  
TGTTTAAAAGGTTAACTTTTTTTAATTAAATTGGATACTGAATTAAGCTCAACCCATTGGTATATGTTATTTTCAAG  
TGGAAATGGAAAATGTTAATGATGAAGTAGATGAAGCAAAAAACAACAATCCTACAACGAGATTGCAGAAA  
TTAGTGAGGTTGAAGACCTTGTGGTGTATGTTGTGATATATATCCATTAATAAAAAATATTGGAAAATGCGTCC  
TGCTAATCCAGACTCCAGCATCTGTAGAGTTTCGAAACAACAACGCAGGACGAATAGCATAGCTTATGTTCCC  
TCGAGTGATTTCCATGGGCTCTTTTACCGTCATACTAAGGATTTGAAAGCTACAGAAGAATACAAACATCAA  
GGTTTCTGTAACTTTTTACGTCGTCTGGATGATGATCATAAGGAGAGAGCTAGATTGTTGAAGGAGCTTGTGG  
TAAAAGCTGAGCGTTGGGTAGAAGAAGCCCGCAAGTGTTATGCAGAACCAATAGACATGAAGGAAAAGGAG  
TTTGTTATGATGATGCTTATGGATGGGTGCTTTATAATAGAATTTTTTATACTGGTTCATGACCACTACACTACT  
TCAGCTCAATATCATTGTAAGTTCACCCAAATTCAGGCAATGTAGACTTTTTATTTTAGCAAGAAATCATTCTT  
GATGTGTATCTTGACTTAATAAAGCTAGAAAATCAGGTTCTTC

>trans\_c\_3526 NM\_129790|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein  
(AT2G42280) mRNA, complete cds

ATATGCCTCCAATCGCGGAAGAGGAGAATAAAAGCATAGGCATTGTGAGTAGCTCTCGCCATCGTCAGAAAG  
CGAACAGCGGTGATCGACTTCAGACCGACGATTTCTCAATAGTTCTTGGGATAACTCTGCAATGAGGGATAT  
AAAGAGAGGGAGAGATAACAATGGGCATGCATTTTCAACTTCCATTGTGCTTAAAACTCAGAATGCTGATTCT  
GGAAATAACATTCGTGGATTGGCTCATCTTTGAGTTTACCTATAAGTTTCAATAAGGATCCGGTAGAGAAAT  
ATTTGAGATTTCAAGAGCCTGTTCTCATCAAATTCGAGCAAAAAGAGGATGTGCCACACACCCGCGAAGCAT  
TGCAGAGCGGATGAGAAGAACACGGATTAGTGAGAGAATTAAGAACTGCAAGAGCTGTTTCTGACATGG  
ACAAGCAGACAAGCAGCTGATATGTTAGAGTTGGCGTTGAATACATTAAAGGGCTGCAGAGACAGGTCA  
AGACTCTCACAGATACGAAAGCGAAATGCACTTGCTCATGCTCGAGCCAATAACAAGAAGCCAGAAAGAAAG  
CAACACCTATCTTTAGTTTGATTTTGATCTGTACAGAAAGCAGGCAACACCTATCTTTAAGTCTAAGGAAC  
ATGAAGATACAAGAAAGAACAATACAACGTTGTCTACTTTGTTTAAAAGTTATAGGATTTTAGGAAATTGTCT  
GTGTAATAGAACTGTTGTAAGTTAAAAAAGTTCAATGTAAGATCCAAATCATGGATCATTCACTCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3527 XM\_002871535|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata structural constituent of ribosome, mRNA

ACACTCCAATTTCCCATTTCCAATGGCGTTTTCTGCTTTCTCCCCTCTTCCATTCCCCGTCTCCTTAGGGTTCCGCC  
GCCCTCAATCTCCCACCAACCGCCTTTCTCGCCTTTCTTCCCTGTTTCTGCTTCTTTGAGCTCTTCCTCTTCTGAA  
TCTAAATCCGCTAAATCATCCTCCCCACCGATAATCTTGTTTCTCCTCAAATGGAACACTCCCCCTTCCCTTG  
TTGAACCTCCACACCTCCTGACTCTAATTTCCCTTACGCATTTCTAACCTACTCCTGCTGCGTCTGCTTCTCT  
TCACCCCATCTTGGGTTTATGCAATCCACTGAATCTTCAATTGAGAGGGTTATTTTGAATTCCGTTTCTTGGC  
CCTGCTTGCAGTTGGGGTTCACTGGCGGGTTCATTCTTGTGCTTTCTCAATGGCTGCGTTTATATTTGTGATG  
CATATAAGTTTACTGGTCAAGCTGTGTCAAAGGAATTCACACCGGACAAATGGTTTGGCAGTTGTTGAAGC  
TATCGATGTATATCTTGTGGAACCGTCATGTTAATTTTGGGATGGGCCTGTATGGATTGTTTATCAGTAATG  
TGTCCCCTGATGAACCTCCTCTTGTGATCGTGCCCTGAAAGGGTCTCACTGTTTGGGATGTTTGCCTTGAAG  
GAGAGGCCAAAATGGATGAAAATTAGCTCCCTGATGAGCTGAAAACAAAAGTTGGACATGTTATTGTGATG  
ATTCTTTTAGTGAAAATGTTGAGAGAAGCAAAATGGTAACAATAGCAACAGGTCTTGATCTACTCAGCTATTC  
TGTTTGCATTTTCTTGTCTTCNGCTTCTTTATACATC

>trans\_c\_3528 XM\_002888799|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphoribosyltransferase family protein, mRNA

AGATGAGAGCATATCAAATTCATTGTCATTTGGCCGGTCATCCCAACCTACCCTCGTCCATGGCAGTTCACTCT  
CATATTGAGAGAGTGCTCTGGACCCACGACCAAATTTGGCTCGAGTCTCTGACCTTGCCTCCCAAATCTCCAT  
CGCCTTCCACGGAGCCTTCCCCGCCAGTCTCGTCGGCGTCGCCACCGGAGCTTTCATCTTCTCGCCGACT  
TGGTCCGCCACATCAATATTCCAATCGCTGTTGACTTCGTTCTGTGCGAATCATATGGTTTCGGTACTCACTCTA  
ATGGTGCTCCTACAATCTCATCGGACTTGAAGGTCGATGTTAAGAACAAGCATGTAATTCTGGTTGAGGATAT  
TGTAATACTGGAAATACTTTATCATGTCTCATTGCTCACATGGAGGTAAAAGGAGCATCATCTGTATCAGTAT  
GCACTTTTCTTGATAAACCAACAAGACGACAAGTTAATTTTCAGCTAGTAGGCGAAGGAAAGTTCTACTCCGG  
ATTCCAATGTCCAGATTATTTTGTGGTGGGGTATGGAATGGACTTTGCGGAGCTGTACAGAAATTTACCATAT  
GTTGGCATTTTGAAACCTGAATGTTACCAAGTATTAAATAAAACATCTCAGTAAGGAGGCATTATATTTACTA  
TTTAGGTTCAAATACTAGTTGATTCTCTCTTTTGGTTTGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAACCTTTGTTCAATTTAGCCTTTGTAATTACAAAAAGTGATCATTTACGCCCTC  
ATTTTCATTTTACTTTATTTTTTAAAGATCTTTTTTACAAAAA

>trans\_c\_3529 XM\_002306666|Populus trichocarpa thioredoxin y (PtrTrxy1), mRNA

AGACGTCATAATTCCTCTATCGACATTGTTGGAGGAGCCGAGAGAGAGCCTTCACATGGCCGCCTCCTTTTCA  
ACTTCACCTTATCCTCTCCTCACCTCCCACCGTCCAATCGCTTGCTGCTACCATTCCTTCTCATCCGCACTCTC  
TTCCTCCTCTCTACACCTACCTCTTCAGCTTCGACGTTTTGACTTGGAACACTCGGATTTACCTCCATCC  
CCCTCTCGAACCTTCTCTGGTCAAAGCAAAGAACCAAACGTTCTCTCCTTTGATGATTTACTGGCCAACTCT  
GACAAACCTGTGCTAGTCGACTTCTATGCAACCTGGTGTGGTCCTGTGAGTTTCTGTTTCTTCTGAAAA  
AGTTAGTGCAGCGCTGATTGACAAAGTCCAGGTGGTCAAGATAGACACTGAAAAATATCCTGCCATCGCTGAT  
AAATACAGAATAGAGGCATTACCTACATTCATCCTCTTCAAAGATGGAAAACCCCTTGACCGATTGAAGGAG  
CTTTGGCTGCGCGTGAGCTCATCCAACGCATTGAAGATTCTCTGAAGGTTAAGCAATAACAGTGGGGAGATGT  
GACTGAGAAATTAAGAAATGGAAACCAATGTCTTCAACAGGAATTCTGGGTATGATAGATGAGAAATTTCA  
ATAAAATTAACCTCCCCCTCCCCCAACCAAAAAATGAAAAAAGAAAAAGAAAGGAAGAACATTTTAGA  
TAATTCTGTAACTTGTATGTAATTGAAATACTTGAAGAATGTAAGTATAGACGTTTCTGTTAATCCCAATTTT  
GTGTTCAATTAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_3530 NM\_127351|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family protein (AT2G17970) mRNA, complete cds

TAATTTGGATTTTTAGCATAATTACTTCTGCTGAGTTCTCCGTCTTGCTGTCGACCGATTCTTTCTTCTTCAGC  
AATATCTTCGTAGCCACCGTCTCGTCTCTTGCAAGTTGATTATCTGCCACTCGACGATGGCAATTAGTCATCACCA  
TCTCAAAGTGAAGACCCCTTTCTTCATAATTACAAGCCCTCGGAGCTAAAGATCGCTTCTGAGTTTCTCACCAC  
TTGGCTTCCGTTTCTTTCCAAGGATCTCTGCGGAGGCTGCACCAAATTGCTCTCGGATCGTATCCGCACCCCTCG  
ATCCAGCCGACCGTTCCGACGAGAATTCAGGTTCTGCACCACAGTGGAAGACATGCATGAAAGTAACGGTA  
ATCAGGATGATGCTTTTGATGCAAATTCTCTTGAAGTTGGAAGATGAAGCGGAAACAAATTCATTAGGGA  
GTTGGAAGATGGCATGAACGGAGGGAATGAAGCTGATGGAGGACCTGAAAATCTTCTAGTGATCTGCCCT  
CTAAATTAATTCCACCAAGACCTCAGGCCCTCGAATGTCGTGGGCTGATATGACTCAGGAAGATGAACTAGA  
AGAAGAGGAAGATGAGTATGAATCAGAAAAAGATTAGTGAGTCTTAATGAGTCCACACGGAAGTTAACAAT  
ATCGAAGGTTATTGAGAGGCCAAAGCTGTCTAGAGAGCAGAGAGAGCATATCAGATTCATGAATGTTGGACG  
GAAGAAAGATTTTATTTGTCTGGAGAGGTTTAAAGGAAAAGTGAATATTCTGAAGGACTTGAACATTCAT  
ACGTGTATTTTGTGCTGCAGAACAGACGAGAATAGTTGATCATGTTTATG

>trans\_c\_3531 NM\_121550|Arabidopsis thaliana MUB2 (MEMBRANE-ANCHORED UBIQUITIN-FOLD PROTEIN 2) (MUB2) mRNA, complete cds

ACTTTGAAAAGTCCGGAGGAGCCTCGTCTCTGAGTTCTTCTTTGATCTCTTCAACTGGTTTTGTACTATTATTAT  
TCATAGAGCTTTTGTCTTTCTTCACTTTCAACCTCTGAATCAAGGTTTGTGGAAAAAGACAAGTACCCAGAT  
CAATTTTTCAGCCGAGTTCATAGCGGTTAAGAATCTCCCTGTGAGAATCTGAGGAAAAAAATTCTGCTAAT  
TAACCGCATTGCAATACTCGGGTGGGATTTTTTGTATTTCTTTCTTTGGAAATCCAATTTGTTTGCATGATT  
GAAGACACAAGTCAATATGGCTGGAGTGGGAGATCAATTGGAGATCAAGTTTCTGACTGAACGATGGATCTGA  
TATTGGCCCCAAACTTTCCCTGCTGCCACAAGCATAGCAACCTTGAAAGAAAGCATTCTTGACAATGGCCAA  
GAGAAAAGGAGAATGGTCCAAGAACAGTTAAGGATGTGAAGTTAATAAGTGCAGGAAAAATCTTAGAGAAT  
AATAGAACACTTAATGATTGCAGAAGCCATTATATGACATTCTGGCAGTGTGACAACCATGCATGTCGTTAT  
CCAACCACCAACTTTGGAGAAAGAAAAGAAAGCTGGAGAACAAGCAACACAAAACAAGTGTGTTTGTGTTAT  
ACTATAAACGGAACCTGTGGAAGTTCTTGACGCCATTTTGTAGTGCATAAAGATAGCAATTTTCTTTTAA  
AGTTCTGATGCCAATAACAGCTTGAATCAGTTGAAGAAGCTTTTCTGGAGCTTGTGTTATTGGTTTCACAGT  
AGTAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3532 NM\_121562|Arabidopsis thaliana LNG1 (LONGIFOLIA1) (LNG1) mRNA, complete cds

CAAGAGGTCCCAGTTCAATCACAGAAAAGCACAGAAAGCCTCAGCACTGAGATTAAGAAGTGAAGTCAGAG  
ATTGACAAATTAAGGAAGCATATTCGCCAAGTAAACTTCAGTAATGAGGAGGAGGAGCTCTTGAATGACAGC  
AAGGATCATTCTGCCAAGAAATGAATTCTCAGCACAAATATATTTGGCAAATATTATCAGAATCAGGTCTCCT  
CAAAGATCTTGACCATGGCATGTCTGCCATTGAGCTCCACTCACCAGGACACTTGATCAATCCCAACTTATTTCT  
CCACTTGAGCAATCCACGACGGTTAAATGGCCTTTTGATGGTGATTATACAGTAAACTGAATTCCACATCAGA  
AGATCGCAATAAAGTTCAGAGGAAACTCGTGTTTGATACTGTTAATGAAATCTTTTGGACAAACTAGTGGCT  
GAACGTTCTTCAAACATTGGCTCTCAAAAAGTACTATTGCAGGAACGGATTCAAGAGGGCAACAGATTTTGA  
AAGAACTATGCACACAGATTGATCAGCTACAAGATAGCAACCAAAGTGGCAGTCTCCACGACTACGATGATGC  
TTCAAGAAACATGATTTGGAAAGATTGATGTATCCATCCCGCTACTGGGGAAATTACCAAACGACATTTCC  
GGCATAGTGTGGATATTGAGCGGCAGATCTTCAAAGACTTGATACTGAGATCGTGATGAATGAAGCAAGC  
TTCTATGACAATAACTGCAGGGAATTTCCCTCAAAGTGAAGAAATCCATCATCTAGGATAAAATAATGTGCAAT  
CTCTTCTACGACTTCAAACCTTGCATCCTTAGTCACTTCTACAGGTTTAGGT

>trans\_c\_3533 AJ010423|Glycine max mRNA for glyoxalase I

ACAAATGGGCCTATCTACCCTTTTTGATTGAGTTCTTAGAACTGGTTTTTCTTGCAGAGATTGAATCGATTGAG  
ATCCTTCTCCATGGCTTCGTCTCCTAAAGAATCTCCAGCCAACAATCCAGGACTTCATGCTACTCCTGATGATGC  
CACTAAAGGTTACATCATGCAACAGACTATGTATCGGATTAAGGATCCTAAAGTCAGTCTCGACTTCTATTCTC  
GAGTTCTGGGAATGTCATTACTCAAGAGGCTGGATTTCCTGGAAATGAAGTTTAGCTTGTACTTTATGGGTTA  
TGAGGATACAGTGTCTGCACCAGAAAGCTCAGTTGATAGAACAGTGTGGACCTTTGGTCGAAAGGCTACGAT  
TGAGTTAACACACAACTGGGGTACTGAAAGTGACCCCGAATTCAAAGGATATCATAATGGGAACTCAGATCCT  
CGTGACTTTGGACACATTGGCATAACTGTTGATGACACAATTAAGGCATGTGAAAGATTTGAACGCTTAGGTG  
TCGAATTCGTTAAAAAACAGATGACGGCAAGATGAAAGGAATTGCATTTATCAAGGATCCTGATGGCTACTG  
GATTGAAATCTTTGATCTCAAACTATTGGAAAAGTTACTTCTGAGGCTGCTTGAGATAATATGAACCTTTTTCT  
GGTAAGTTAAAGGGCGCTTGTTGTTCAAATCAGTGCTTCCATAGATTAAGTGGATCGAATTGCTCCAGCTTA  
GCTACTGTCATTTCACTTTGTTATGAACTTGTGAGTCCAAGCATCTCCAGACCAAATAGGTTATATCACTAGCAT  
GATGTTGGTTTTGTAATAAAATCATACATATTGATGTGCAAATAACT

>trans\_c\_3534 NM\_111944|Arabidopsis thaliana outer membrane OMP85 family protein  
(AT3G11070) mRNA, complete cds

AAATGGGTTTCTGAACAAGCCATCATCTCTTCCAGAGCGCTTTTTCTTGGTGATTTGTCTCCAGTATGCACCA  
TTGGAGGCCCCGACAACTGTATGGGGATTTAAGACGCGTGGAATGGGGCCAACTGAGCCAAGGCGCGAAGTG  
AGAGATGAAAATAAGGATGAAAACAATGATTCTCTTGAAGGGATTTTGTGGAGGAGATCTTGCAGTCACT  
GCTTTTGCAGATCTTTCGTTTGACCTCCCAATTCGCTGGTTAAGAGAACATGGAATCCATGGCCACATCTTTCG  
TGGTGCAGGCAACCTTGCAAAGTTGACCGAGAACGAGTTCCGCGAGTTTCTTTCCAGAAGTTCATGGAAACA  
TTTCGTACCTCTGTAGGAGTTGGGGTTGTGGTTCCAACAAGACTCTTCCGCCTAGAGGGGAATTTCTACTACAT  
ATTGAAGCAACAAGAACATGATCGTGGAAAACTGGCTTTCGGTTTAGCATTTCTGCTCCATCATAAATCTAAT  
TTTGACGAGGTTTGATGTTTCAGGAATCACAGAGTAAGGCGGAAGTTATTTTCTTCTCGAGTTATCATTTTGA  
CTGGATGAAAAAATTTCTTTTATAACATCCAGGGAAGTTAGAAAAAAGAAAGAAAAAGAAAAAAGA  
AAAAGAAAAAGAAAGCTTTTCTTCAACCATGGAGAATGGAAGGGAATAATATGGTTTGTGATTGTCGATTTG  
AACAGGTTACTAAAACCTCTCTCGAAATTGTTTTATTGACCCAAATCGGCGGATAATTTTTTGTCTCCATCA  
ATGATATGAGACAATTCCATTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3535 DQ792717|Glycine max transcription factor bZIP37 (bZIP37) mRNA, partial cds

CTTTCCTAGCTAGCGAGAAAGCTATGGCCTCTCGCAGGGCGTCTGATACCGACAAGGCTAGGGAGACTGGCC  
TCGCAATTCCTAGAGATCTTAGTCCAGCCCTTACTATTCCAACATCAGGGCACTTCCTTCTCGTCCAGCTAACA  
GGGACCACAAGAAGGCAACTGCGGTTGATGGTAACTCCAACAGTGGTTCGTTGAAGGTCTTGCAGGACCAA  
TGTTGAGTTCTGGCTTGTGTACCGAAGTGTCCAGTTCGACGTTTCATCAACAGCTCCAGGAGCAATAGTTCCA  
GCATCTTCCCTTGTCAATACATCTAGAACACATCGTAAGAACGGTACTCATCTTAACAAGGGAAAGAACAGGA  
GAATCCTCGGTGGTCTTCCAGTTCCTTAAGTAGATCAAACCTTCAACATCACAGAAGAACCTGCTAGAAACCCA  
CACAAAGACAATTTCCAGGTAACAATAATAAAACAGCTTCGTCCATGGTACTTTCTGTGCTCATTGATCCAAG  
AGAAGCTGGGGACAGTGAAGTTGACGGTGTGATTACGCCTAAGTCTCTTTCGAGAATATTTGTGGTCTGTGTTG  
CTTGACAGTGTCAAGTACGTACATATTCATGTGTTCTCCACGCTCGGGTCCTCATCTCGTGTCTACTTAAAC  
CTAGAAACCGTTATGCCAATTGATCTAATATACCCACATTTTGACATAAACAGAACAATTGGCAGGGTTTAA  
AGAAATACCTTCTGATGTTGACTTTGAATTTTCTTGGTATGGCTAACTTTTAGGTTTAGCTTTAGTGGTATAGA  
CAAGTCTATAATGGACTTCTATTTAGTATAGGCTTTTTGGTTTAAAC

>trans\_c\_3536 XM\_002315142|Populus trichocarpa f-box family protein (FBL10), mRNA

AATTGATTCCGTCGAGACGAGTTGTTGTGCCTGATCAAGTTGGGGAGATGGTGGTGGCTGAACACCCTGCTC  
ATATACTTGCATACTACTCCCTAGCAGGACCAAGAACTGATTTTCCAGAGAGCGTTGTACCGTTGGATTCTAG  
TCCTTGATCGCTTCATAGAGCTTATGGGGATGTACATACAACAAGTCAACAACAACAAACAAAGGACAAC  
AACAATCTCTCTCTCATTTGTTCTTCTCTTTCCATTTGCCACGTACCTGTTAATAGAATTGAAGGTGTTACA  
AAATTTGCGGTTAGGATGAAAATTTGTGTTTGGAAAAGTCATTTTGTGTTGGTGGTATCATCAAATATAAACA  
AAGACAGAAAGAAAGAACGAAGGACGAGGACGAGGACGAAGACAAGACAGAGAAAGACGGTTTTAATGTT  
GTAATAAGGCTGTGTTGTTTTGTTCTTGAAACAGTGCCATCATGATGATGGAAATGGCAGTTTGAACACTGTT  
TATTGCAAAGACTTTCCTTTCTTTTTCTTTTTTTTTCTTTTTTCTCTCGACTTTGCCCATTCGAAGAAG  
AAGAAGAAGAAGAAGAAGAACCTTAGCTTTTTAGGTGTGATGGTAATAGTGAATATTACTTTCTTCTTTCT  
GAGTTAAAAAATCCCACTCAGAGAATTATGGTTTTTTTTCTTTTTGTTTTTCTTTGTTCTTCTTTTTTTATA  
GTTAGTTGGTGGGGTTATTGGAGATCAATGGTTGTATCAGTTGTGAATAAATGAAAGAGCCTTCTACAAATA  
GTTTCAGAACTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3537 Novel Gene

CTCTCACACATATAACCTTCCTTTGACTTCGATCCTTTGATTTTACGTCTCTTCTTCTCGGATTACACCTTTT  
CTCCTGTTTTGAGCAGCTGAATTTAAGAGCTCATAGCTTTGCTGGTTACCTGTGTTCTACTCCGGACAGCCAA  
GTTTCATGTCTGAATTCACGTGCAGATTCCATCTGCTTTGACCCATTTGCTGATGCAAATGCTGAGGACTCG  
GGAGCCGGAGCAAAAAGAGTATGTTTCATGTCCGCATACAGCAACGCAACGGGAGAAAAAGTCTGACAACCTGT  
CAAGGATTGAAGAAGGAATTTAGTTATAACAAGATTCTTAAGGACCTGAAGAAGGAATTTGCTGTAATGGC  
ACAGTTGTGCAAGATCCTGAGCTAGGCCAGGTTATACAACTTCAGGGAGACCAAAGAAAGAATGTGTCTACA  
TTCCTTGTGCAGGCTGGTATTGTGAAGAAGGAAAACATCAAGATTCACGGTTTCTAAAAACCATCAAGTTTGT  
GTTTACAGCAGCTTATAACTGATAGTAGTGGATATAATATATAACTATCTTTAGAACTTACGAGTGCATGCTAC  
AACTCTGGATCAATGTACGTTTGCTTTGCTTTGTTATGCAGACCAAGTTATGGATTGGTGGACGTGGACCATTT  
TAGTTAATAATATGTTTCTGCTTTCTTATCTTATCTCGATGGCAACTTTAGATCTTGACCTCTCATTTTCTGATT  
TTTGTTAATTTGTTTATAACGGGGTCGAGATATAAATTATTTGCAGCATTGTTTCTCCACGAGTCTTGATTCTC  
GTGATCAAATTGTATTCTTAGCATTTTATACATTTATGAGAAA

>trans\_c\_3538 AB024274|Citrus unshiu (CitVATP c-1) mRNA for vacuolar H<sup>+</sup>-ATPase c subunit,  
complete cds

AGTATCCGAAGGAAAAACGCAAAATCAGAGAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAACTTCAGATCTGATCTGA  
TCGGAGATCCTTTCTTCTCTCTATCGGAAAATATGTCGTCAACCTTCAGCGGTGATGAAACGGCACCCCTTCTT  
TGGCTTCTCGGCGCTGCTGCGGCCCTGTTTTCTCTGTATGGGAGCTGCTTACGGGACGGCAAAGAGCGGT  
GTTGGTGTGGCGTCAATGGGAGTGATGAGGCCGGAATTGGTAATGAAGTCTATTGTTCCGGTGGTTATGGCT  
GGAGTTTTGGGTATTTACGTTTGATTATTGCTGTGATTATTAGTACGGGGATTAACCTAAAGCTAAATCTTA  
TTACCTTTTCGATGGCTACGCTCATCTTCTCTGGTCTTGCTTGCGGCCTCGCCGGTCTATCTGCTGGCATGGC  
TATCGGAATCGTCGGCGATGCGGGCGTCAGGGCCAATGCACAACAACCTAAGCTTTTTGTTGGGATGATTCTC  
ATTCTAATTTTCGCCGAAGCACTTGCTCTTTATGGACTTATTGTTGGTATTATTCTCTCTCTCGAGCTGGTCAGT  
CAAGAGCTGATTAAGTGATGAAATGTTTTGAGCTTGGAATTTGTGTTGGTCTATCCTTTTTCCCTTTTATCTCAT  
GAATTATTTTGTAGTTCTATGATTAGAAATGGTCATGACTAAGTTTTTACTTTCTCAAATATGCTTGTGGTCG  
TGTGATTTCTGTACCACATATATTCTGTACTCATAAGGATTTGGAAACAATTGTTCTCTCAATAAACATATAAAA  
CATTGCTTCAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3539 NM\_118743|Arabidopsis thaliana CK1 (CASEIN KINASE 1); ATP binding / kinase/  
protein kinase/ protein serine/threonine kinase (CK1) mRNA, complete cds

TCAGCACATTCCTTACAGAGAAAACAAGAATTTGACAGGAACTGCAAGATATGCAAGCATGAATACCCATCTT  
GGCATTGAACAAAGCCGCCGGGATGATTTAGAATCACTTGGATATGTTCTTATGTATTTTTTAAGGGGGAGGG  
ACTTAAAGCAGGAACGAAGAAACAAAAGTACGAAAAGATTAGTGAAAAGAAGGTCTCCACTTCTATAGAGGC  
CCTTTGTCGTGGATATCCTACTGAATTTGCTTCATACTTCCATTATTGTCGATCATTAAAGGTTTGATGATAAGCC  
AGACTATGCTTATCTAAAAAGACTCTCCGTGACCTTTTTTATTCTGTAAGGTTTTTCAGTTTCGATTATGTGTTTG  
ATTGGACCATTTTGAAGTATCAGCAATCCCAGATAACTGCCCCACCTACTCGTGCCATTGGCGGTGCTGGACCA  
AGTTCTGGAGTACCTATGGCTATAGCAAATGCTGATAGGCACACTGGTGGTGAGGAAGGTGACACCACCCG  
AGTGGCTGGATAGCGGCAGACCCCTTGCGAAGGAGAACTCTGGTCCAGTTACAGGCACTGCAAAACAAAAA  
CCTCCAGTCACAAACGATCACGCTATTGCCAAGGAACGCATACTACCAAATTCCAATATTATACAATCAAGTGG  
ATCATCAAGACGAGCTGCAATCGCTAGCACCCAAGATATAGCCCTCCTTGGATGTGAATCCGACCCAACCTCGC  
CTTGGAATTCCAGATCCAAGCTTTGGATCTGTACACAAAATCTCTAGTGCACAAAGGCATTACCAGCTGATCA  
GAACCGTTCGACCTCGGCTACAAACATATCACGCGTCATGAACTTTGAGTC

>trans\_c\_3540 U89841|Lupinus angustifolius diadenosine 5',5'''-P1,P4-tetraphosphate hydrolase  
mRNA, complete cds

TCGTCTTCTCCTTCGTCTATCATCATCCATCCATGGAGTTCCTCCAGAAGGTTACAGAAGAGGCGTTGGGATT  
TGCCTCTTTAATTCTTCTGAAAAATTTTCGCAGCTTCGAGACTGAACGGGCATGAAATCTGGGAAATGCCTCA  
GGGTGGTGTAATGAAGGCCAAGATCTCAAACTGCAGCCAAGAGAGAAGTTCATGGAAGAAACAGGAGTAG  
TTTCTGCAGAAATTATAGCAGAGCTACCCTACTGGCTTTCTTACGATTTCTCTCCGAAGTCAGCATCAGACAC  
ATCAAACTGAGGAGCAAGATACAAAGGCCAGACCCATAAGTGGTTTCTCCTGAAGTTTACTGAAAAAGAC  
GAAGAGATAAATCTTCTAGGCGATGGAACAGAAAGGCAAGAGTTTGGGGAGTGGTCATGGATGTCAATTGA  
ACAGCTACTGAACCAAGCTAAGAAATCCCGGAAGCCTGTTTATGAACAAGTGATGAAGGAGTTTGGTAACTTC  
ATACTTGAATTGTGGGTGATGATATTCCTCTCAAGCAGAGTGAACTTAATTGGTCAATTGAAGGGGTTCAA  
ATATTTTTATCGATCATACCACGAACATATACCATACGAATCACAGGTTTCATAGAAAATGTTATGCACTCACAT  
CTAAGTTTGATTGTTCAAATAAGAGATGCCTTTATTTAGAGATAAGGCAGATATGTTTGATCCTTTTAGAATTT  
GAAGTGGTGGATTAATGAAATCTGAGGCCAAGATATTGGAATCAGAACCTTCATTAAATTGTGCAGCTGTAAA  
CAAGGATTGCAGTGTCAAATAAGAGATAAAGGGATTTTGATTATANGAAAAAAA

>trans\_c\_3541 Novel Gene

GGGGCATTTCGTATTTTCGAGACTGCGTGCTTGCTACGACTACACACCACTCTCTCCACTCTCATTCTCTCCTTCT  
TCCCTTTTAACTCCGAAGTTTCGCTCAGATCCCATCGTCGCCCCAGGCAAGCTTCTGAGTTGTGACATTTCAA  
GAAACCGAAGAGCCATGGGGGGTCTGTTGAGTTAGCAGTGGTGGGGGGCAGAGCTCACTGGGGTACCTGTTT  
GGTGATGGAGATGCTCCTAATGCAGGTGCACCAAAGGTGGCCGCCAAGCACCGCCGCTTCAAATGAAGGG  
AAGACTGTATCCAAACCAGCAGTGTCTAAACCTGCTGCTACTGCTTACCACCTGCAGATATTACCAAGCAGAT  
TCCAGCTGGTATTCACAGTAGCTCATCAAACAACTATTTGAGGGCAGATGGTCAGAACACTGGCAATTTTATA  
ACGGATCGGCCTTCAACCAAGGTTACGCGCGCCCCGGGCGGGGGATCTTCTCTGGATTATCTGTTTGGTGGTG  
CTGGTGGAAAATGAAACCTGCAAATCAGAACTAAATAGAGCTATTTGACGATCCATTTTATGTGAATTTTATA  
TCATGTGGAAGGGGCAATGTTTTTTCTTTTCTTTTCTTTCTTCCATCTGAAACGATACTATGGCGGGACTATA  
TGCTTTTCGATGTAATGTGTAGATGCTTATGGTTTCTGCTCTCTGTTCTTGGGTTTTATTCGGTCAAAATTTTAT  
TTGGATTCATGAAAAGCTGTTGTGAGCTTATCTGTGTCTGTGAGGGATCTTTCTTACAAGTAATGGATAAACTC  
TCTTTTATCTTCTAAAAA

>trans\_c\_3542 NM\_001056510|Oryza sativa Japonica Group Os03g0323800 (Os03g0323800)  
mRNA, complete cds

AAAACCGGAACCTTAGGGTTTTAGCGCATTCCCTCTGGGGTTTAGAGAGAGATAACCCTAAACTCTCCCTCTCTC  
TCTCTCTCTCGTTCTCCGATCGCTACACTAACTCAAATCAATCTCATTCCCGTTTCCTTCCGATCGTCCCCTC  
GCCATTACTACACTTGATTCTCTGCTATTTACTTTTGTTGATTCTACACAATGGCGGGCCTTGCTCCTCCGACCG  
CCGCCACTGCTACGGCTGCGCCTTATCCCTACCCGTCCACCGAAAAAGACAGAGGATGAGAAGGTTGATTA  
CTTGAACCTCCCTTGTCGATCCCCTACGAGGAGATTACCGTGAAGCTTTCATGTCCTAAAGCCGGAACAT  
TTGAAGGGATGCGATTTGATTTTACTAAAGGACTCAATCAAAAGTTTTCCCTCAGCCACAGTGTGTTTATGGGA  
CCAATGAGATTCTAACCAATCTGCCGAAACCATCAAATACCTACTGCTACTTACGAGTTTGGTGCCAATTT  
TATAGATCCGAAGTTGATGCTTTTGGGAGGATACTACCGATGGTAGGCTGAATGCAAGAGTGAAGTGTGA  
TTTATCTGACAATCTCACCTAAAGGCCAATGCACAGCTGACAAATGAGCCACATATGTCACATGGAATGGTC  
AACTTCGATTATAAGGGCAGAGACTTCAGAACTCAATTTCAATTGGGCAATGGTGCCTATTTGGAGCCAGTT  
ACATTGAGAGTGTATCCCTCACCTGTCGTTGGTGGTGAAGTATTTGGGCTGGTCAGCATAGAAAGTCTGG  
TATTGGTTATGCTGCAAGATACAACACTGATAAGATGGTTGCCACTG

>trans\_c\_3543 NM\_125384|Arabidopsis thaliana HTB4; DNA binding (HTB4) mRNA, complete cds

AAATCGTTCAATATCATTAAATCCCCCTTGCCGTTCCCAACACCGCTAGAGCTCTTTCACCTTCATACCAACAA  
TGGCGCCAACGAAAGCCGAAAAAGAGCCGAGAGAAGAAGCCAGCGGAGAAAACCCCTTCCTCGGCAGAG  
AAGAAGCCAAAGGCTGAGAAGAAGATCGCCAAAGACAGTGGCGACAAGAAGAAGAAGATCAAAAAGA  
GCACCGAGACTTACAAGATCTACATTTTCAAGGTTTTGAAGCAGGTTTCATCCCGACATTGGAATCTCCAGCAA  
GGCAATGGGCATCATGAACAGTTTCATCAACGATATCTTCGAAAACTTGCTCAAGAGGCTTCGAAATTGGCA  
AGATAACAAGAAACCTACGATCACCTCACGGGAGATCCAAACCGCCGTTTCGATTAGTGTTGCCTGGTGAGT  
TAGCGAAGCACGCCGTTTCTGAAGGAACTAAGGCCGTAACCAATTTACAAGCTCTTAGATTCCGGTGTGCGT  
GAATTTTGAATTAGGGTTTCGTTTGGTACTTTTTGTGTAGATCTTGGTGTCTCTCTGGTTACAGGTGTATC  
GAAATGCCTATAGTTTAAATGGATAACAAAGTTCTTCTTCGGTAGATTCTTCTATTTTCTTGGCAAATGCT  
GTGATACTTCTATCCTAATGTGAAAAATAGGGTTTGCACAGATCCGATCGTTATTGTGCTTTGGATTGATTAT  
AGAATACATGCATCATGATCTGGAATTGAAATTTCTTAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3544 BT004740|Arabidopsis thaliana At5g43150 gene, complete cds

AGAGAAGGGGGACGAGAGAGCGAGTTTCGCCAAGTTGCCTTCTCCTTCTCCTTCATGATTATCTGTTTTAAA  
TTTTTGTTAATTATCTATTTCTTGATTTTGTTTTCCATTTGATCTAATTTGTTTCGTGTTTGTTGGTGTTCAG  
GTGAATTTTCTGTTTGGTCAGATTTTACATCTTAGCGTCCTTTTCTCTTGAATCTCTTCTCTCACTGGGGTAGA  
AGAAGAGGAGAATCCCAAATGGAATGGTGGATCAAGATAAGTACTCCGTTGAGAAGTTTACCTTCAGAGT  
CGCTCTCGTCTCGGATTTTCGAAACGCGGTATGAGATTTCTTACATATATATAAATTTGAGAAAATAAAACA  
ATTCCGATTCTCAATCTCAAATCCAGAAGGGATTTGTTGTTTTGGTTGAATTGGGGATTTTATGAAATGAGT  
TAGGGCTACTGAAATTGGGCCAAGATGTGAAGGCATGTGAATATGAGGACGTGCACGTGATGTGGGAGATG  
CTGAAGAGAAACGAAACGGATCAACTAATTGGATCGTCCGAAAGGCGCCGAAAAGGAGATCGCTATGGAA  
TATATTTTGGTGGGCTCGATCAGCCCCATGCATCGGCAGAATCTGAACGATCCCAACAGACCATGATTTTGGG  
TTACATGGTAACGAAATCAAGAAAAGAAGAAAAGAAGCATCTATCAAAATAATATCACTTTTGTAGAAAAAT  
AGTCCACCACTACTACCACATAATAGATAACAAAAATGATCAGTTTGTATCCAATCTTGATCATGGCCCCCTCTCT  
TCTCTCCTTGCTTTTCTTATCTATATATCTATCAAAATAATAAAAA

>trans\_c\_3545 AF370605|Arabidopsis thaliana axi 1 protein-like protein (At2g44500; F411.31)  
mRNA, complete cds

ATATATTTGATTTGGAGCATTTCAAGAATGTTCTGGCGGATGACGTTCTGATAGTGTCATCTTTGCCATCTACG  
CATCTGATGACTCGGCCAGTGGAGGAAAAATCCCCTCCCCATCACGTCTCGCCGAGTTGGATTGGTTCGCGTT  
ACCTCAGGAAGCTTAGAAGAGAAGGGGTACTCCTGCTGCGCGCTTGGACTCGAGGCTTTCTAAGGATCTTCC  
TTCTGACCTTCAAAGCTCAGATGCAAGGTTGCTTTTCATGCTTTGAGGTTTGCTCCACCAATTGTGGAACCTG  
GTAACAAGCTCACTGAGAGAATGCGGAGCAAAGGACCATACCTTGCTCTTCATTTACGAATGGAGAAGGACG  
TATGGGTGAGAACTGGTTGTCTACCTGGGTTGAGCCCTGAATATGATGAGATGATAAATAACGAAAGAATTC  
GAAGACCTGAACTCTTAAGTCTAGATCGAACATGAGCTACCACGATAGAAAAGTGGCAGGCCTTTGTCCCCT  
GAATGCCTATGAGGTTATGAGGTTACTGAAAGCTCTCGGAGCTCCGAGGGACACAAGGATTTACTGGGCTGG  
AGGTCAACCACTCGGAGGAAAAGAAGCCCTGCAACCATTAAACAGGGGAGTTCCCAAATTTCTACAACAAGGA  
AGATCTTGCTTTACCAAGTGAAGTCTGAGCCTTTTGCAGAAAAAGCTTCCATTATGGCTGCTATTGACTATATTG  
TTTGTGAGAGTAGTGATGTTTTTCATGCCTTCTCATGGAGGAAATATGGGCCATGCCATTCAGGGACATAGGGC  
TTATGCTGGACATAAGAGGTACATAACACCAACAAAAGGCACATGCTTCCCCTT

>trans\_c\_3546 Novel Gene

ATATCATTGTAGAAATGCTCAATAAATAACCATATGGGCGTCTTCCATCCATCTCCCTTGATATCATCGATCCCC  
CAATGTGTTTGTGTTCTTACATTACTGTTTGTGATTATTATTATGTTAATTTTATATTTTATGATGTACAGGCCG  
TGATGATCATGATTGATATTATTTTCATGATTTGCCAACATCGTTTGATCATTTATCATGATATCTAATTTGACG  
ATCCCTCTGTCTGAGGCCTGATTTTTCGTTTTCATTTCCATATCTGATATATATCATTGCAATATTTATTTATTTGA  
ATTACTCTACTTGAAGGAAAAAAAAAAAAACATCAAATTAATACTCTCTTTCTCACCGACAATTCTACAAAAA  
AAAAAACCCCTCTCAATTTTCTTATCTTTGTAGTCATAGCTTAGCAAGGAAAAGTCTCTTTTTGGAAGCGTTGTC  
TCAAGAAGGTAGGAACTGGATGTACTGCTATGGCTGAAATGAGGTTTAGCAGAGTGAACCATGCAATCACA  
AAAAGAAATACAATGAAAGGAAAGTTGACAGCTTGCAAAGGAGTACTTGAAAATGCAAGAGAAAATTAAAT  
GGCAAAAAGTGTTGCTATATACTTTAACAGTTCTCATAGAGAGATGCCTACATTGTCGTTGGATGTTCAATTCG  
GAGTTGCTCACGATCGTGGTTGATTCATCAAGCCTTCGCCCCAATTATTGCCCCACCGAGAAAATTGAAGGAG  
AAAATATGAAGAAGGCGAAGAGAGATAATAACTTTTTGTAGTTGGGATGATTTGATTGTCAATGAACACATATA  
AATGACTCTTNCACCTATTTCTGCAAACCTCAATTATCAACT

>trans\_c\_3547 NM\_124177|Arabidopsis thaliana GFA2 (GAMETOPHYTIC FACTOR 2); heat shock  
protein binding / unfolded protein binding (GFA2) mRNA, complete cds

ACCATTGAAGCTTTTATATTTTCTAAGGTATAGAAAAGAATAACCAAAAAAATCGATTTCCCTCTTCTTCCCA  
TTCTCGCCTGCTAGAACCTTCCGCCCTTTTCTCTTACTCAATTAGGGTTTTTACAGGGTTTATCGTTCATCAATT  
CGCCATCTTCCAACCTCCCCATATCACTTCACTCTCCCATCAAACCCCTGAGTTTCAGAATACGCCAACCTCCCT  
GTGTTTCTTAGCCCCAAATGGTTCGCTCCGATGGCCTCAAGCTCATCCGTTTGCTGGCTCGACGTTCTTCACAC  
ACCACCTCCCTCGCAATCATCAACCTCTGTAAACGATGCTGTTTTTCGAGGGAGTCATAGGCAATTCCATTAT  
GGGTTTTGTAATAAATCTGCTTGTGTTTGAAATTGCGCTTCAAAGAATGTTAATAAAAAAGAACTGGATTCAAGTT  
AGGAGTTCTTGGTGCTAACTAGGGGAGAAGCAAATTCATTCATGGCACTGCACACACGTTCTGATAAAAAATTAT  
TACGATACCCTTGGAGTGAACAAAATGCAACTGCATAAGAAATAAAGAAAGCATACTACGGGCTGGCAAAG  
AAGCTTCATCCAGATACAAACAAGGAAAACCTGATGCAGAAAAGAAGTTTCAAGAAATCAGTAAGGCTTAT  
GAGGTTTTAAAGATGAGGATAAGCGCAGACAATATGATGAGGTGGGGCATGAAGCATTTACACAACAAGA  
CCATGGTGGCTTCCCTGGTGGTGACGGCGGTTTTGACCCGTTTAGTGGAATGTTTAGGGGATTTGATTTCTCTA  
GTATGTTCTGGCAGAACTTTGGTGGAGAAGATATCAAGGTTGTTTT

>trans\_c\_3548 XM\_002875346|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl transferase family 17  
protein, mRNA

GGTTAAGCACCATTCTGTATCCTTCTTTCAGTCATCTCTCTTCTCCTCCGGAATTCTGTAATTGAGAGTTTGGT  
TTTGTTTAAACAGCGGCTAGCCATTAAAAAGCCCACAAACGGCTACAATTTGCGATATTTCCACGATGAAAC  
AGAGCGTTTAAATTAAACCCATTTCCCATTTTTGTTCTGCTTCCGCCCCCTTTGTGGGGATTTTGTATCTGAGTCT  
CTAGGATCTGATTTTTCGAGAGAATTTCTGGAATTTCCGGCATTTCGGACATTTTCTACTATTTTCTTCATC  
ATGTCTGATGGGTATTACAGTTCTAAGAAGACAGATGATATCTGTGAAGACGTTTGTGGCCAGGGGCTCGA  
GGTGCTTTCAGCTTGTCTAGATTTGATGTATTCTTCGAGGTTGGGATTTGAAGACATTAATTTCTCTCTTGT  
GCTGTTCCACTCTTGATTTTATTCATATATCTTCATGGCCAGAAGATTTCTTATTTCTTAGACCTATTTGGGAGT  
CTCCTCCAAAGCCATTTTCATGAAATCCCTCATTACTATCATGAAAATGTATCAATGGAGTCTCTCTGTAAGCTC  
ATGGTTGGACAATGCGCGAATCGCCAAGAAGAGTCTTTGATGCTGTTCTGTTTAGTAATGAAGTTGACATCCT  
GACTGTCAGATGGAATGAACTTTATCCTTATATGACTCAGTTTGTGCTTCTCGAATCAAACCTCGACGTTCACTG  
GTTTGCAGAAGCCGTTGGTTTTTGC AAACAATCGGGAACAGTTTAGCTTGTGCGAGTCACGGTTGACTTATGG  
GATGATAGGGGGGAAGATTTAAGAAAGGAGAGAATCCA

>trans\_c\_3549 Novel Gene

GGGAAAAGAGAGAAGGAATTAAGAGGGTGGATCACGGTTTTCGTTGCGCGCATCGTCTTCCTCATAAACTC  
GATTTTCAGCTGTACGATTAGGGTTCCTTCTATTACCACCCGAGCAGCCATGTTCCCAGTTATCAATCCGTAATT  
AATTACGTCGCCTCCACCGTTCGATCGAAATGGGATCGTCGTCCTCGACTTTCCCGGTTATCTGTTTTCTTCATT  
CTGTCGTCGCAATCACCAGCGGGACTCTTATGATGTTCTATATGAAGGAGATTTACACAATTGGCCATGGGAT  
CGAAACCGCCACTAAGTTAATGGGCTCAACACCACACGATCAGCTCCTGATTCTGACTACCGATTCTGTTTTCCG  
GATTGCTCCTCTTCGCAATCGGTTTCCTTCTTTTCATGGTTGCGTTTGTCAAGGACAGGGAATTTCAAGGCTTTT  
TCGCCAAGGGGTGTACGGTGCTTCATGTCTCAATGGCGATGTGGAGATTCTACTTCGAGCGGAGGGTGGAGG  
ATCTGGCTTGGGATTGGCTAAGGCAGATTGTTGGTGACATTCTTCTGCTCTATCTTGGGTCTTCTTTCTTGTTT  
ATTCTGGAGAGAAAAATATGATTAGTTTCCGAGTCTTTTGCTTTTGATTCCAAGTTACAAATTGCATTGAGATT  
TTTCTGGGTTTGGGTATCTCTGTTCAAATTTGGGGAAGAAAGCTACTGATTCAAACATTCATATCGCAGAAA  
GGGGACAATCCATCCCACTTTCCCTTGTGTGTATGTCTTTTCTAATTTTTCATTTCTTGTTGAATGAACAACGTTT  
TTCAACTTTAAAAACCGCAATCCCTTTCTGTAAATATTATGT

>trans\_c\_3550 XM\_002893469|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAGAAAGAATTGGAAAGTGCAAAGTGCTACATTGTTAGTCCAGATTTGGAAAAGCCAACTCAAGATGTTTTTA  
TAGATGAAGAGGGTTGCGAGGAAGATACACCAGATGAAGCTTGGCACCAGAGTGATTGAATAAGAAATCT  
GTTCTGTTGAAGATGAAGAGGTCATTCTTTTCAATCCCCTTATGAGGTATAACTCTGCTCCAATCTCTATTGCA  
GAGAGCGACAATGTTTCACCGAAAAGTGTAGAGGCTCGTGCCATATCTCCGACGAATGCTTGAGGCGTGCT  
ACATCGCTACTTATAGAACAGACTCAAGGCCAGAGCGATCCATTCTTTTTATTCAAATGCTACAAATTTTCAG  
CAGAAACAAACCATTTGAGCAGCATGATATTTTGGAAAAGATGCAACAGGCCATCAAATTCAGAAGCCACC  
ATATCTACTGGCCCCCTTCACTTAGTGCCTGGGTGCTCAATAAAGGTTTTACTTTTGACCCTGATAGAGAGAA  
AGGGACCAATGGTTTTGTAAACCTGGTTTGCAGCCCATTGACGAGTTAACTCCAACGTTTATAAATGGTCATA  
GACTTGGTGATACCGAGAATTCTGTTTCGAGTCCGAGCTGCGAATCTAGAAAATCATACCATTTTCTCCTCCT  
CCCTATTCTGCCCCAGCACCTCGGCTCCTTATTTACCTGATGATGCTGTTTGGTTTAATAGTACAAATGCTATC  
ATCTCTGATGGAAAAATCTATAAGGAAAGGGACCAAAATGATACTCTCTCCAATGTGTTTCTAGGAAGTACAT  
ATTCAAATTGGACTCCCCCTCATGCTACACATGAATATAGTCCCTTGAT

>trans\_c\_3551 NM\_001036389|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein (LUH) mRNA,  
complete cds

ATTGTATCCCAACAAAAGAGAATGGACATCTGATGCGTGACCCTTTAATGAAAGTGTTGGCCTGTCTGACTCG  
AATTCAATTATAGAAACACGCTATCTGATGTGCAGCCAGATACTGCCCTGTTCTTGGCTGAAATCTCACCTGC  
TTCGAGCCATTGCCACCCCTGGAGATGTATGTAGAACCCTGACTGACGTGCCAGTAGCGAATCTCATTGTTTGC  
ATCACAAGAGCAGAAAATCTCACTCTTCTTAGGGTGGAAATCAAGAGATTGCACTTGGGAGGTATGTCCAGTA  
TACGCATGTAGACTATAAGTTGGTTGTGCTGCATCCCAAAGTCGAATAGTTGCATCAAAGGAAGATGTTGCTA  
GCTGAGTTGAATTGGGTCTGAAGCGAATATCGGAAATGATAAGAGTGTGTTCCCTTTGGCGTGGTTTCAGTTTG  
CAATGTCTCCATGTTCCAGATGACAACCCCTTTTGTGATGACCGGCACTTGCCAATAAATTCCCATCCGAAGAGA  
AGTGACAGCACACAACCTTTGCTGTTGCTTTTACGCATGGAACCAACTTCACTAAAAGAAGGACCCTTTGAATTT  
TCAGCAGCGTGCCAGAAGGGATCCGCTTCAATGTGCCAAACAAATCCCTTCCATCTCCATCATCATGTGAGA  
GAAACGACTCCACATTATCATCCAAGGAGGCAATATCTCCAAGATGTTCTATGTCTTCCAGTTGGTTTGTGGAT  
GAAGCAAGACCCCCTGTTCCATCATTCGTATACAACAACATATTCTTAGGCATGCTATTAACATTCTGCATATTG  
GGGGCAATAACAGCTCCATCACCAGGGGTGTGAGTTGATGGAGTTGA

>trans\_c\_3552 AF439849|Arabidopsis thaliana At2g31130/T16B12.6 mRNA, complete cds

TCAGATATGTTTTTTTAGATAAAAAATAAAACAAACAAAATAAAATAAAACAACCTATAGCCAGTTACAGTAAA  
ACCATGAAAGACTGATCATCTTTCATTAAAAATTGAAAATAATATTATTCATCTTGCTACCATCATTCTGAGAAT  
ATGATTTTGATTTTATTTTATTTAAGTGATCTGATGATCAACTCATATGAATTGTAATTTAAACAGGAAGATCAG  
ATTCTTGGAGTCCTGATGATATTGAGCTTGAACATGGAACAGGCAACATTCAACAAGCAGATGAAACAAAACCT  
GGATGAAGAAGCATGTGTCTTAGTTAACCGAGACGACTTACATTTTGATTTCAATGAAGAAGTTAAACAAAGA  
CATTACAAGAAGAAGATAGCAGGAGCATTTTCTTTCACAAAGAAGTCAAAGACGAAGCAAGAATACAAAGAG  
CTTGCAATGAAACATGGTCATGGCTTTGGTAGAAGCCCAAACCAAGATAAACAGAAATTAACAGCAGAA  
GACGTCTCGAACTGGATTGGCAGCTTCTCTAAGCTTGAATCTGTTAAATCAGATGCCACCATGGTTGTTAAT  
AGCCTTGAATGGAGACTGTAAAAAATAAACCCCATCATCATCCCCTCCTTGCTAAGGTGAGAAGTCTTAAAA  
AAAAACACAAAGATCAGAACCTCATTGTGCAAAAGCATTGTCTATCTCCTTATATAGAAGTGGAAGAGTCAG  
TGGTAGTCTCTTGAGTGTATCATGGGTTAATTACATCTTATATAACCATGTTACTTTACTTGGTAGTTATGATGA  
ATGTTTGTGTATGTATAGTCTTTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3553 HM773376|Dimocarpus longan cytosolic copper/zinc-superoxide dismutase (CSD1b-4) mRNA, complete cds

AGGGGGAATTTTTTTTGTCTTTCTATTTTTCAAGATCAATACAAGACATACCCAAGCAGGTAATACGCAAAC  
CGCTTATCATTGCTCACCCATTAACCGCTAAAATCTTCTGTTAGGCGATAGACTAGTAAAATGAGTGCTCTAA  
AAGCTGTGGTACTCATCGCTGGAGGAGATTCCAACATCAGAGGCACCATCCAGTTTCGTCCAAGATTCAAATGG  
GGCAACCCATGTCAATGGAAGAATAAGTGGACTCTCTCCTGGACTTCATGGCTTCCATATCCATGCTCTTGGCG  
ATACCACAAACGGCTGCAACTCCACTGGACCTCATTTTAATCCGTTGAAGAAGGACCATGGAGGTCCTGGGGA  
TTCAGAACGTCATGTAGGGGATTTGGGGAACATTTATGCAGGTCCAGATGGGGTTGCTGAAGTTTCCATCTCG  
GATAGGCTGATTTCACTTAAGGGACCTCATTCGATAATTGGTCGAGCAGTTGTTGTGCACGCGGATCTCGATG  
ATCTTGGCAAAGGTGGGCACGAACTTAGCAAGACGACTGGAAATGCCGGTGCAAGAATCGGATGCGGCATT  
ATTGGAATTCAATCTTCTGACTAAAGGCGTTGGTTGTGCTGGAAAAACAAACGTATTGAGAAAGATAATTTGT  
TATATTCTCTCTTTATTTGTTTAGTCTCGTAGAATCTGCAGTTATAATATGATATTATTAATATCCAAATGTGA  
AGTGCCAAAGAAAAATCACTCATGGCTTTGGAAGCCATGCCACATGGTATATAAAACGCCTTAAGTATAAAAG  
ATATGGTATAATTTGTACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3554 EF555210|Cucumis sativus isolate MIF\_1 allopolyploidy-induced demethylated sequence



>trans\_c\_3555 NM\_116011|Arabidopsis thaliana BRH1 (BRASSINOSTEROID-RESPONSIVE RING-H2); protein binding / zinc ion binding (BRH1) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3556 EU373036|Gossypium hirsutum gland development related protein 45-like mRNA,  
complete sequence

>trans\_c\_3557 NM\_113189|Arabidopsis thaliana APS1 (ATP SULFURYLASE 1); sulfate  
adenylyltransferase (ATP) (APS1) mRNA, complete cds

TGACATCCTACTCCTCGGTGGTGAATGATCTTTACATTTTACAAGGCACAGGGACTTTTCAGTTGGTTCATCTT  
TGGTGGAAAGAGGATAAGCTAGAACTAGCGACCTCCCTCCTTGAGAAGGCCAGGGCTAAAGGAGTATCCCTTT  
TATTACCAACCGATGTCATCATTGCAGACAAGTTTGCTCCTGATGCAAACAGCAAGATTGTCCCAGCATCTGCC  
ATCCCTGATGGATGGATGGGACTGGACATTGGACCAGATTCCGTAAAGACATTCAATGATGCTTTGGACACTA  
CCCAAATATCATCTGGAATGGACCAATGGGAGTGTTGAATTCGACAAGTTTGCTGTCGGCACAGAGGCAAT  
TGCTAAAAAACTCGCAGAGCTCAGCGGAAAGGGGGTGACAACCATCATTGGAGGTGGAGACTCGGTTGCAG  
CCGTGGAGAAGGTGGGAGTTGCGAGCGTCATGAGCCACATTTCAACTGGTGGGGGTGCTAGTTTGGAGTTGT  
TGGAAGGCAAAGAGCTACCGGTGTCCTCGCTCTTGATGAGGCCGTACCTGTCGCCGTGTAGGTGATGAATT  
ATTATTCGATTTGATTTTTTTTTTCTCCATTGCAGCTGAATGCTTAAATTGCAATGTGTAATAGAGAAATATAT  
ATTGTCGTAGAAGAAGATGAGTTTTTGTGTAAAAATGGTATCTTCAACTGTTGTTCCCTTTCTGTCTCTGCATT  
TGGCTTCCCTTGCTTGGTGGGAACAGACTGTAGGGATAACAACTGCTTAAAGAGTTGTAATAAATTTGTGGAT  
GGATGTCCATTTTCTCTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3558 NM\_130038|Arabidopsis thaliana CYCP4;1 (cyclin p4;1); cyclin-dependent protein kinase (CYCP4;1) mRNA, complete cds

GAAACTCAAAAACAAAAGAAACAAAAAACAACCAAAAGGTGAAACAAAAGCTCTGAAGCTTGCTTGATTTCT  
TCATCAATGGCGGAGCTAGAGGATCCAACGTGCTAAGCTAATCGATTTCTTTCTGTCTCCTTCAACG  
AGTGGCCGAATCCAACGACCGAAACCTCTCTGTTTCATCTTCAACCTCACAAAATCTCTTCCATGGCTTAAC  
TCGCCCCCTCATTTCATCCAAAGCTACTTAGACAGAATCTTTAAGTACGCCAATTGTAGCCCTTGTGCTTCGT  
CATTGCCTACGTTTATCTCGATCGCTTTGTTCAAAGACAACCTCTTGCCTATCAATTCCTTCAATGTTTCATCGC  
TTGCTCATCACTAGCGTTCTGTTTCTGCCAAATTTATGGATGATACGTATTACAACAATGCATATTATGCAAAA  
GTAGGAGGGATCAGCACAACAGAAATGAACCTTCTTGAAGTGGATTTTCTGTTTGGTTTAGGCTTTCAATTGA  
ACGCTCACTCCCACCACTTTCCATTCTTATTACTCATATCTCAAAGACAAATGCTTCTGCTTCAGCCTCCTTTGAT  
GAGCACTGCTTCTACAAAATCAGAGCTGCTGCTTAGTTCATCAAGAGCTCTAAATCCCATTTCTGTTTTGATG  
AAGATGAAGCTTCCATAAGAAGCAACAACCTTGCAGCTGTTTGAACAAATTCAAACCCAAAATTTGGAATTCA  
AACTTTGGAGCATTGTGGGCATAAATTCCTCAGCCAAATGGAGCAAACCCAGGTTTCAAAAATTGGATTCT  
CTCCAGTTTTAAGCATGAAATGGTCTGTTGTTTGCCTGA

>trans\_c\_3559 NM\_122568|Arabidopsis thaliana LON1 (LON PROTEASE 1); ATP binding / ATP-dependent peptidase/ serine-type peptidase (LON1) mRNA, complete cds

AGCGCATTTACAACCAGACACCAGTAGGAGTTGTGATGGGGCTTGCTTGGACCGCCATGGGAGGTTCCACTCT  
CTACATAGAAACAACTCAAGTTGAGCAAGGAGAGGGTAAAGGTGCTCTCCATATAACTGGTCAGCTTGGAGA  
TGTTATGAAAGAAAGTGCTCAAATCGCTCACACTCTTGCCCCGAGCGATATTGCTTGAAAAAGAGCCAGACAAT  
CCTTTCTTTCGAATACCAAGCTTCATCTTCACGTTCTGCTGGAGCAACGCCAAAAGATGGGCCAAGTGCTGG  
TTGCACCATGATGACATCTCTATTGTCACTTGCCATGAAGAAACCTGTCAAAAAGGATCTAGCCATGACTGGTG  
AAGTAACCTTGACTGGAAAAATTCTTCCAATTGGTGGGGTGAAGGAGAAAAACCATAGCTGCAAGAAGAAGTG  
AAGTAAAGACAATAATTTCCCTTCTGCAAACAGGAGGGACTTCGATGAGCTTGCTTCCAATGTGAAAGAAGG  
TCTTGATGTTCAATTTGTTGATGAGTACAGCCAGATATTCAACCTTGCATTTGAGGACAAATCAGAGTGAAAAA  
AACATAAAGTTTTGACATTTGATGATCATATACTTCTGGATTTATCATCCATCTGTCTGGGTTTCTTACGACTTT  
ATTTTGAGAACTACCTAGTATATTTATTATTGTTTAAATGTCTCATTTGATGGAGGGAGGCTTTGATTTTAAACA  
TCACCATTTTTTTCACCTATTCTCTCGTCTCAGTGTAATATTTATGAACATTATTTTAAATAAATATAGATCAA  
TCTTTTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3560 AB376091|Hevea brasiliensis hpt mRNA for homogentisate phytyl transferase, complete cds

AGTGCAGAATTGGGAAGAGAAAAGAGAGATAAGCAGACAGATGAGAGCGGTCTACGTGAGAGATGGAAAG  
GGAGGGGAGATAGCAAAAGGCGAGATTAGCCATTCTGAGGAAAGTTTCAAAGAAGTTGGAAATGGGAAATCA  
ACAATCGTTATCTTCATAACGCAGTTGGTGGGATTGGAAACGGGTGGACGAGTAGTGACGTCAACAACGTTT  
GGCTTCCAAGTCCAAGGCCTGGAGCATTGAAGATTCTAAAAAGCACTGTTGTGTTGAATCTGAATATGGATC  
ACATCATTTTGAATGTGTTTTTGGGAAGACATCGGGAAAGATACACCTTCTATGAGAAAAAAGATGACAGAGTC  
CAAGTTAGAAAAGCAGCCTCTAATCAGCCTTTTGAACTGAATCCGGAGCCTTGAGTTCCAAAAATTATGGTG  
ACGCTTTAAGGAGTTTTTTAGATGCTTTTTACAGTTTTTCGCGGCCGCACACAGTTATTGGTACAGCATTGAGC  
ATTGTATCAGTTTCTCTACTAGCAGTGGAGAACTATCCGACTTGTACCATTATTTTAACTGGAGTGTGGA  
GGCTATAGTTGCGGCCCTCTTATGAATATTTACATTGTAAGTCTGAATCAATTATTTGACATTGAAATAGACA  
AGGTACTTCTGTTGATTCTTTTCCCACGAGCATATTAATTTGGCACACTGAACATAATTTTAGAGGACTTG  
AGAGTGGATCACATTATATGTGCAGTCATGGGTTAGAATCCATTTTACATTGAAGGCATTCTTGCAGAACAC  
CATGCCCATTTCTGCAGTGTCTCCTCATTGGGCACTTTATCATAATCTTTTA

>trans\_c\_3561 AF106845|Oryza sativa U2 small nuclear RNA genes, complete sequence

ACGTCGATTGCATAACATCGGAGTGCAGGACACTCTCATCTTGCGCTTCTCGTACCTTCTAAAACCCATATCTCAT  
ATTGAATATACAATCTCTGCTTCTGTGATATTCAACTCATTGGCCTCTGAGTTTGCGGAAGCTTAAGTGTGAA  
AGTTGTAAAATACATATGCGTGGTGCAGCTGCCTTATTGACTGTAAAGAACAAACCTAACTGATCCATCCTAC  
GAAAGGATCATGGGGTAGTCTGACTTCCACAGTACAAAGGCAAGGAATGAAGAATGATTCTGAGGGAGAGT  
CTGTGGTTACAAAAGAGAAAGCTGACCCAATTGCAGCGTTCAGCAAGCCTCCACCACTCCCCCTCTTCTTGGT  
CCATTGGCTGTTCTTTTATTGTTAGAAACATATTTGAGTCCTGATGGAAACGATGACTAGAAGGGGATGTTTTG  
TAATACCTTTCTCGGCCATCTGGCTAAGGTCAAGTGTAGTATCTATTCTAGAAGGGGATGTTTTGTTATACCTTT  
CTCGGCCTTTTGGCTAAGATCAAGTTGTAGTGTCTGTTCTAGAAGGGGATGTTTTGTATGTTACAAACTCTAC  
CATGTCCATGACCCCGCTGTGGTTATGTTTGATATTTCTTTATTTGTGAAATGAAGTAAAAATAAGAGTACAT  
ATAAAAAAGTGGAGACCCAAAACGTGTAAGGGTTATAAAGATTAGAATCTTTGGATAGGGCTTGCAAATGCT  
CCAGATCTTTTTTGTATACACGAGATTCTATTAGTCAAGGATGTGTAAGAACTGCGTTTCAGTGTGTGTACCTT  
ATAAAGTTGGAATTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3562 NM\_115218|Arabidopsis thaliana diaminopimelate epimerase family protein  
(AT3G53580) mRNA, complete cds

AACGATTCCGGCTTCTCTGCTGCTTTCATTACACCGAAAGCGGGAAGTTCATACTCCGACTCCACAGCGCCGC  
CATGGCCATAGCCACCACCATTTCTTCCACTTACCTCACCATCGTCACGCTCTCTTGCTTCAATTCCTTCTCTC  
CGATTGTCTTTTACTTCTACACTTCAACTGGATTCCCTTCCGAAGTACTTCGCTCGGAGAAGAAGCCCTAGGCT  
CTCCGTCTCCGCGTCTTCCGCTGGCCTTGAAGTTACAGAGAAAGCGCCGTCGTTGCTTTTTCTTGACCACAGAG  
AGAGTGGTCTCCTTCACTTTGTTAAGTACCACGGCCTCGGCAATGACTTCATCTTGGTTGATAATAGGGACTCG  
TCAGAGCCTAGGATCACCCCGGAGCAAGCTGCTAAGTTATGTGATCGAACTTTGGGATTGGTGCTGACGGT  
GTCATTTTTGCTATGCCTGGCGTTAACGGTACTGATTATACTATGAGGATATTCAATTCTGACGGTAGTGAACC  
GGAGATGTGTGGTAATGGAGTGCATGCTTTGCCAGATTTATTGCGGAGCTTGAGAATTTGCAGGGAAGGCA  
TAGCTTCACTGTTTACTACTGGCGCTGGTCTGATTATTCCAGAACTTCAGGATGATGGACAGGTAAAAGTAGAC  
ATGGGTGAACCAATTCTCAAAGCAACAGATGTGCCTACCCGATTGACACCACTAAAGACCAATCTGTTGTTA  
AGGCAGCCATAGAAGTAGATGGAGTTGCATGGAGCGTGACCTGTGTCAGTATGGGAAACCCCATTTAACTT  
TTGGCAACAAAATTGAGCAGAATCTGCAGGTCGAGGACATAATTTAGC

>trans\_c\_3563 NM\_114450|Arabidopsis thaliana ferric reductase-like transmembrane component  
family protein (AT3G45810) mRNA, complete cds

CTTCAAATCAAGTAAGAAATATCCCCAGATTTTAATCAAAGGACCCTATGGAGCCCCAGCTCAAAGTTACAA  
GAATTATGACATTCTATTGCTAATAGGCCTTGGAATTGGGGCTACTCCAATGATCAGCATTTTGAAAGATTTAT  
TAAACCATATAAAAAAAGTGGCTCCCACGCTACTGATGCTCAAAAGGTCCCAAAGAGAGCATATTTCTATTG  
GGTGACAAAGGAACAGGCATCGTTTGATTGGTTTAAAGGCGTCATGGACGACGTTGCTGAGTATGGTCATGA  
TAAAATAATAGAAATGCACAACCACTTAAGCTGCATGCACGAGGAAGGAGATGTGCGATCCGTGCTCATCAC  
ATGCTGCAACAAATTCAGAAATCTAGAGGTGAAGAAGTGGACGTTGTCTCAGGAAGCCGGATAAGGACTCAC  
TTCGGAAGACCGAACTGGGAGAAAGTTTTGCGAGAGTTGGCATCCAAACACAAAAGTTCCGAAATAGGTGTA  
TTTTACTGTGGAACATACAGTCTTGTAAGGAATTACGTGGTCACTGCAAGAACTTCAGCGATAGTTCAAGAT  
CAACAAGGTTTCGTTTCCACAAGGAGAACTTTTAAAAAGAAGTTATAAACTAAAGGTATCATCTTTTAGATTG  
AATCTTCCACTTGTAAGCTGCTTGGTTTTGCTCTCAAAAGTGAGGAGAAAAAGGAAGAAGAATGCTTTAA  
TTCCACTATCCAGCGTAGCAATTCGTGCAATCTCCCATCAACTTTGGCTGCTCTCTAATAATTGTTGTCTAATTG  
AAATCGATTTCTGTAAGGATAGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3564 AB040543|Glycine max copz2 mRNA for nonclathrin coat protein zeta2-COP,  
complete cds

AAGCTGAAGCGTTTGTTAAATAGAGATCCAAAGCTGAAAGCCATTTCTCCGTCTCTTCAACTCCTTTGCACTT  
CACACACAAATCCTTGTTCTTCAATCTCCTTGCTTCTCCTCAAATCATGGAGTCTTGTCTTCAATAAAAAA  
TATTCTCCTGTTGGATTCCGAGGGGAAACGTGTGGCTGTCAAGTATTACTCTGATGAGTGGCCAACAAATAGT  
GCAAGGGAACTTTGAGAAAGCTGTCTTTAGCAAACTCAAAGAGCAATGCTCGAAATGAAGCGGAGATT  
GCAATGTTTGAAAACAATATTGTCATTTACAAGTTTGTGCAAGATCTACATTTTTTTGTCACTGGTGGGGAATA  
TGAGAATGAGCTTATTTTGGCAACAGTTCTTCAGGGATTTTTCGACGCTGTTGGCCTTCTCCTTAGGGGTCACG  
TGGAAAAGAAGGAAGCACTTGAAACTTGGATCTTATTCTGTTGTGTCTTGATGAAATTGTTGATGGAGGTAT  
TGTTCTTGAGACCGATGGAAATGTCAATTGCTGGGAAGGTTGCAACTCAAAGTATAGATTCTTCAGCTCCTTTGT  
CTGAGCAGACAATAAGTCAAGCACTGGCCACTGCACGAGAACATCTGACGAGATCTCTTCTACATAATACAA  
ATGCTGATGGGAAGGAGCATGGAGAAAGTATCTTTATGGCAGTATCCTTCGATCCGGCTATAAAGGTCCTATA  
CGACACTTCATATTTTATTGGAGTTGCTTTTTTTTAAATTTACATGGACTATCTCTCGCCACATTGGATGTTCCAG  
CTTAGTTGAACGAGGAACTTTTTCTTTTACCATTTTCCGATAA

>trans\_c\_3565 NM\_106451|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related  
(AT1G78020) mRNA, complete cds

TTCTCATTTGCTGGCTCTCTTTATCTTCTCCTTCTCCACTTCCCCCTCCCTTCCCTTCCCCTCCCCTCCCATCCCC  
TCCCCTTCGCTTCCTTCAATTCTTCTTCTCAAAAACCACAACCGGTTTTCTTTTTCTTTTTTATTCCGGCTGGT  
TTCTTTCTTATATATTACAAGTATGTCTTTGGGAAGAGGTCACGTGCTCCCATCAGAAAAACGCCGAGCATGA  
CTGAGATCACCTTCGATCTCGGTGGTACTGGCTCCGCCGCCGAACAATTCCCCCGTCCCTCGGTTATCCGACT  
AACACCCAAATATCTGGATACCAACAAATGCTTTCACCAAGAAATTTCAGAAGGCATTCAAGTTGATCTACAAGA  
AAACGCTAATTTCTCAGAGCTTGTCTCTTTGCTCTCGCCCTCTTGTTCCTGGTCGAGATATTTACATGTACAG  
GGGAGACAGGGGATTCTGTAGCGACGAATGTAGGCAAAAGCAAATGAAGCAAGATGAGAGAATGGAGAAG  
TGCAGTTTAGCAACAAAGAAAGCGGCAGCGGTGGCTGTGGCGGTGGTATCTACATCGGCTGGTGTTCACCT  
CAGATCTCCGGGAAGGGAGAAACGAAGCTGCTTCATAGTGTTGATGGATTGTATCTCTCTATCTATGTTCTC  
CAAGTAAAAATAATCCCTGAAAAAATTCATCCCAATTTTCAAAAACAATTTAATTTTTCTTTCTTTCATTAATGG  
CAAAGGAAAAGGGGATTAAATCCTTTTACCAATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGACC  
TATTTTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3566 AY065281|Arabidopsis thaliana At4g23330 mRNA sequence

AACCACCAATGAATTACTAAGAGAAGCGCTTTGGTGGAGCAATGGCCTGGTCCTAATGGGAACTCAAAAGAA  
ACCCAATTTTCGAATTGATTTTCAAGACTCTTTGAGAAATGGAGCAATCTCCGGCGGATTCTTCCACGACGAGC  
ATCGAAACTGAATGTCAGATTCCAGCGACATCTCCAAATTCGACCACTTCTTCTGACGTTGAAGATTGCACCAA  
AACCCAATCTTCTTTGAGCCAAACCCAGATTCTCGAAGCCATTGAAGTCGTTGAGAAGGATTCTCTCGCCATTG  
CTGAGAGCTTCACCTCTCTCTTTGCTTCCCTGCGCTCGGTCTCTCCGAGGTCACCAGCAACTCTATTGATCATA  
TGCATTGCTTCAACGATGCAGCAGGCCGCTTCAAGAATCTGTGCTTGATGCGGCAACGAAGGGCAATCGATA  
CATTAACTCTTCCTTGAGATTAAATCAGGAAATGAAAGGCATGGATAATCTAGCTGCTCAGCTAAAGGTTTTGA  
GGAAGAATGTGGATGAACTTGACTTGGCTGTGAACAAGCTCCTTAATTTCCATGAGCTCCGCTTGGTCGTAT  
CGTCGCTCTTGCAAGCTTAAGGATTTTTGTTTTACCAAAGAGAAAATACAGTTCATGAAGAAAAATATTCATT  
CCATAGCTTCTTCACATTTTACTCTAGGAAGCATCTCATTGCATGTTAGGTTCTTTGATGTATTTATCCAGAAA  
TAGATTTTCTTGATCGCTTAATAATGTATACTGGTTTGTGGTTTCGATAGTTATAAGGGTCTCTTTTCCTGGAG  
GCTATTCAGCTTTTGAGAGTTTTGTTTCATAGACGCTATATATT

>trans\_c\_3567 AB025029|Nicotiana tabacum PCNA mRNA for proliferating cell nuclear antigen,  
complete cds

ACTTCTTCTTCTCGCGCTCTCTCTCGAAACCCTAGTCAGCCCCATCCCTAGCTCTGCAATTTCTCTCAAAAATGTT  
GGAGCTTCGTCTGTGCAGGGTTCTCTCCTCAAGAAAGTCTTGAATCGATCAAGGATTGGTTAACGATGCC  
AACTTTGACTGTTTCGGCCACTGGATTCTCGCTCCAAGCCATGGATTTCGAGCCATGTTGCCCTGGTTGCTCTTCT  
CCTTCGAGCGGAGGGCTTCGAACATTATCGCTGCGATAGAAACATTTCCATGGGAATGAACTGAATAACATG  
TCGAAAATGCTCAAGTGTGCTGGTAACGATGATATCATTACGATCAAGGCCGATGACGGCAGTGATACTGTCA  
CTTTCATGTTTGAAAGCCCTACTCAAGATAAGATTTTCGGATTTTGAGATGAAATTGATGGACATCGACAGTGA  
GCATCTTGGAATTCAGATGCAGAGTATCATGCTATTGTTAGGATGCCTTCTGTTGAGTTCGCTAGAATATGCA  
AAGATCTCAGCAGCATTGGTGATACCGTTGTAATTTCTGTGACGAAGGAGGGTGTAATTTCTCAACAAGAG  
GTGATATTGGATCTGCCAATATTGTTTGCAGGCAGAATACCACAGTAGACAAGCCTGAAGAAGCAACAGTTAT  
AGAGATGAATGAGCCGTTTCTTTGACGTTTGCTTTAAGGTATATGAATTCCTTCACTAAGGCAACGCCCTTT  
CAAACACGGTCACCATCAGCTTGTCTCTGACCTACCTGGTGTTGTGCAATACAAAATAGCAGAGATGGGATA  
TGTAAGTTTTTACTTGGCTCCCAAATAGAGAAGATGAGGATGAGACAA

>trans\_c\_3568 NM\_001112334|Zea mays protein disulfide isomerase8 (pdi8),  
mRNA gb|AY739290.1| Zea mays protein disulfide isomerase (PDIL2-3) mRNA, complete cds

AATTCTAGAGGGTTTATCAATCTCAGCGCGCGTGTTGTCGAGAGGTTTCTGCCTTGATCCACAAAAACATCA  
ATAACGAGAGAGAATGAGAAGTAATCGATCTCCATTTTAACAATCCTACTTTTAACTTCTTCTTCGATTCTGA  
TCTCAGTAACGCACTCTATGGAGCATCGTCTCCAGTCTTCAACTTACTCCTTCCAAGTCAAGTCCAAGGTTTT  
GAACTCAAATGGCATCGTTCTAGTTGAGTTCTTGCACCTGGTGTGGTCATTGTCAAGCTCTCACGCCTGTTT  
GGGAGAAAGCGGCTACCATCTTGAAAGGAGTTGCAACAGTAGCAGCACTTGATGCAGACGCCCAAGTCAC  
TTGCTCAGGAATATGGCATTAAAGGATTCCCAACCATAAAAGTCTTTGCACCTGGAAAGCCTCCAGTAGACTA  
CCAAGGAGCTCGGGATGTAAAGCCATTGCAGAATTTGCTTTGCAACAGGTGAAGGCTCTGTAAAGGAACG  
TCTAAATGGAAAAACAACCTGGAGGTGGGTCAAATGAGAAATCAGAACCTAATGCTTCAGAAGAATTGAATTC  
TCGCAACTTTGATGAGTTAGTGATAAAGAGTAAAGATCTCTGGATTGTGGAGTTCTTTGCTCCTTGGTGTGGA  
CACTGTAAACGTTTGGCTCCAGAATGGAAGAAGGCTGCTAAAAATTTGAAGGGGAAGGTGAAATTGGGTACG  
GTAGATTGTGATGCTGAGAAGTCTCTAATGAGCAGGTTCAACGTGCAAGGATTCCCTACCATCTTGGTATTCTG  
GTGCTGACAAGGACAGTCCAATTCCATATGAGGGTGCAAGAACAGCATCAG

>trans\_c\_3569 NM\_111213|Arabidopsis thaliana Ku70-binding family protein (AT3G03420) mRNA,  
complete cds

>trans\_c\_3570 NM\_179402|Arabidopsis thaliana NF-YA7 (NUCLEAR FACTOR Y, SUBUNIT A7);  
specific transcriptional repressor/ transcription factor (NF-YA7) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3571 NM\_001070351|Oryza sativa Japonica Group Os09g0541700 (Os09g0541700)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_3572 AY850394|Lycopersicon esculentum cultivar Heinz1706 chromosome 12 centromeric region

AATGTTCTAATCAAATTTTAATCAAACCCTAAATTATTTCACTAATCTCTCTCTCTTTCAAAGCAAAGAACCTCAA  
CAAACACAGCTTATAAACATTATAAATCCAACCTCAATTTCTCTATGTTTCCTCATTCCATCTTTTATTTCTTTTCGG  
TATTGGATAAAACAAAAAATTCACCAATCAATCAATTACCAGAGCTATGATCCGTAAAGAATCAAGATCCAC  
GGAATCGCTATGTGAGAAGTCCATGTTGTTGGTAGCGAATTTAATCAAGCTTTCCAGTTCATTTCTTTTCGCTA  
AGACGGCGAATAATGAAGCGGCAACGCCCTGATTCCGGGAAGTAAACGGCTGCAGGAGCCGCAGAGTCGA  
GCGAAGCCGATCTACGTCACGAAGCCGGGCGGAGGTGGCTTCCAAATCGGACATGGATCGCCGTCGCCGAG  
GTATTCAACATCGTCTTCTTCTGTGATTTATGAAGAGAGTGATTTTGACGAGGCGAATGTTGATGGTTGGG  
CGTCTGAGTATATAGAGAAAGTTCATAAGAACAGGAAGGATTTTGAACAATCGACGATCAAGAAGCCAAAAT  
CAATGGCTAAAAGTCGATTTCTGTAGAACCAATTCCTCTGTTCTAAATTAGCTATAGCTTCTTTCCCCTTATCTTCT  
TTGAATTTTATCACTTTTTTCTTTAAATTTACGTAAGTGATGGCTCATTACTATATGTTTCGTTCAAGTTCACC  
ATTTTAGGGGTTGGGATCCCATTTTAAATCTCTAAATAANGGTAATAAGTGTTTTATCTATTAGATTACGATTAA  
ATTAGTCTTAATATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3573 Novel Gene

AAACCCAGTACATAACGGCCATGCATTACTAATGACTGACACCCGCCGTCGACTGCTTGAGATGGGATACAAG  
AACCCCATTTTGTGCTTCATCCTTTGGGTGGCTACACCAAGGCAGATGATGTTCCACTTAGTTGGCGAATGAA  
ACAACATGAGAAGGTGCTCGAGGATGGTGTCTTGATCCAGAAACAACAGTTGTTTCCATATTTCCATCTCCAA  
TGCACTATGCAGGGCCAACCTGAGGTTCAAGTGGCATGCAAAGGCAAGAATTAATGCAGGAGCCAACTTTTACA  
TTGTTGGACGCGACCCAGCTGGAATGGGTCACTACTGAGAAAAGGGATTGTATGATGCGGACCACGGGA  
AGAAAGTGTTGAGCATGGCACCTGGACTAGAGCGGCTAAACATCCTTCCTTTCAGAGTTGCTGCTTATGATAA  
AACTCAGGGCAAGATGGCCTTCTTCGACCCCTCTAGAGCTCAGGATTTCTTTTCATATCCGGCACCAAGATGA  
GAACATTAGCAAAGAACAAGAGAATCCGCCAGAAGGCTTTATGTGCCAGGTGGATGGAAGGTGTTGGTTG  
AATATTATGATAGGGGGGTACCTGCAAGCAGTGGCAGACTTCCTGAACCTGAAGCTGTTCTGGCGTAGGCTTA  
GGGTGTTGTATCACGGAAAAGTATTTAACTTTTGAATAACAGTGCCTGTGATGAATAAGATCATGAGGCGA  
TGGTACAGAAGCATTGCATGATTTGCCTCTTTGTAAATTAGATGCATTCACCGCATCTTTGGGTTTGGTAAACA  
CAGCATATTGTTTATTAGTGTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3574 Novel Gene

CATTTTCCTTCATAGCTTCATCCTCTTTTGGGGCATTGTAGTTTCTCTCATTCTTCTCTCAACAAGTAACCAAC  
AGATACTTATCGACTTCTTCTGATATTGTATCATCTCCTACATCTGCTCCGTTGGCTTCTAATGCTCTTCAGCACA  
AGAATAAACGGAAGGCTGTAATTGCGTACTTGCGGATCATGGATTCTCTGAATCACAATCTCTGACCTTGA  
CAAGAGGTTTCTCAAATTTCTTCTGCGAACCCCGAGAAAAGTCTATTGCTCAAACCTGTTGTTTTTCAATCTAA  
AGGTCTTTCTTCCCAGAGATTGTCAAATTAGTATGTTCAATTCCTCGTGTCTTAACAGGAAGTTTAGACAAAC  
GAATTATCCCAGCCTTCGATTACATTCAAGCGGTGCTTGGAAGTGGGGAGAAGACTCTCGCTTCTATAAAACA  
GTTTGCGGGTATTCTCGTGAAGGATCTTCGAATTTCAAGTGGTCCCAATATTGAAATTCTGAAACAAATTGGAG  
TGCCGGATTCAAATATTTTCAAATATCTTCAGTACCAGCCTAGAGTGTTCTTGATAAATCCCGTCCGATTCAAG  
GAGACTGTAGAGAGAGTTACGGAAATGGGATTCAACCCTCAACAATTGCAGTTTGTTGTTGCTGTTTTTATTCT  
GCGAGCAATGACCAAATCTACATGGGATAAGAAGGTTGAAGTTTATAGGAAATGGGGATTGTCTGAAGAAG  
AGATCCTTTTAGCTTTTAGAAGGCATCCATGGAGTATGATGCGTTCTGAGGATAAGATTAATGGTGCAATGGA  
TTTTTTGTCAACAAAATGGGATGCGAAGCATCTTTCGCTGCT

>trans\_c\_3575 XM\_002873367|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata inorganic pyrophosphatase family  
protein, mRNA

ACAGACATTCTCTCCTTTAGCCAATCCATCCACTCCCCTTCGTGTTTTGTGGTTAAACTCTCAAACCTCACTTCCCC  
TCTGATCCAAACCAAACTCCATCTCTCAGCTATGGCCGCCGAAGAGTCTTAGCCAATGCCACCACAACCG  
CTGCCGCTCCTCTTTCTCTAAGACCTCCTTTCTCCCAACCACACCCTCCCATTCAATTCATTTCAATTCC  
CTCTCCAGAAGACTCCCCTCCTCCAGAAAATCATTCTCCTGCAGAGCTTTGTATCTCCCTGAGGTCAAGATCAA  
GGAGGAAGGCCAGCCTGAAACCCTCGATTATCGCGTCTTCCTCACTGACCAGTCCGGCAAAAAGGTCTCCCT  
TGGCATGATGTACCACTGCATTTGGGGGATGGTGTTCCTCACTTCACTTATTGTTGAAATTCCTAAAGAACTAGTGC  
AAAGATGGAGGTTGCAACCGATGAGCCGTTCACTCCTATAAAGCAAGATACCAAAAAGGGGAAGCTTCGCTA  
CTACCCCTACAATATCAACTGGAATTACGGATTACTTCCACAAACATGGGAAGACCCATCCTTTGCTAACTCTG  
AAGTTGATGGTGCCTTTGGAGACAATGATCCCGTTGATGTCGTTGAAATCGGTGAAAGTGATAGGAAGATAG  
GCGAGATTCTAAAAGTAAAACCACTGGCTGCTTTAGCTATGATTGATGAAGGGGAAGTTGACTGGAAAATAG  
TTGCAATTTCACTTGATGATCCTAAAGCTTCATTGGTAAATGATATAGATGATGTCGAGAAACATTTCCCGGAA  
ACTTTAACTGCTATTANGGATTGGTTTAGAGACTACAAGATCCC

>trans\_c\_3576 FJ899652|Jatropha curcas small nuclear ribonucleoprotein polypeptide mRNA,  
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCAATAGTGAAAAATGCTTATAAAGATTTAAAATTTAAAAATTAA  
AATAAAATAAAATAAAATAGCCAATTTCTTCTGTGTCCAATTAATCCACCAGAGCGCAGCAAATATCTAGC  
ATGTATCATAAGGTTGAGGATATATGCAAAATAAATACAATGATCTAAGCAACATTAGTGCTGGATGAGTTGA  
GTGCCATGACTATCTCTCATATAAGCTGACATTCTAATTTCTTTTAAGGCAAGTACAAAAACAGTCAACCAATT  
GACAGTAAAAATAACAATCTATGTTATGATCAACACAAGACTTCCAAGTTCCACCACTGAAAAGGGCTACACTT  
CACTATCTCTTGATTGGTTCAAAAATGGTCATCACTTGCCCGAGTTCATCATCAGAGTTATGTTATCCCCTTTA  
AGCAATATCCTCCCCAAAGTTTTCTGCTCTTCTTTACATTGACTTCCTCAGCATCATCCAAAACCAAATTCA  
TATATTCGTCAAATCCAATAATTCGGCCTTCAATCCTCAGGTCTTTTGCTCAAAAAGCCATATTTGAATTCGAG  
CTTTACTTTGAAGAAACCTGAAAAATCAAGTTTATAGGTTGGGTGCTAATCCTCTGAACCTTTGGTGCTCGCCATG  
GCGATTCAAGCAAATAGATATCTCAAGAAAGGAAATTGGAAGACCTAACTCTGTCTGAGTTCACTCGGAAGTC  
GCAGCAGCTCACGCCCTCACAGTCGCCAGCTACGGGAATGGAAGTTCAATTAGGGCAACGAAGAAGGCTTAT  
ACGGTTTGGTTTAGATGTGAATTCCTTCTTCTTCTT

>trans\_c\_3577 AM746109|Populus trichocarpa mRNA for D1-type cyclin (CYCD1;1 gene)

ATCCAAGTTCAATTTCCATCCCATCTTCATCCACCCCCACACCCACGTCTTCCCTTTTTCTTCTTCACTGAATAC  
TCTCGCGGAGTCTCCGGCTGTCTTTCTCAATTGGATGGGGATGACCATGCTGTCTGAAAGAGAATGAGGGAT  
ACTAAATCCCGATCATGTCCATCTCTTCTCCCTCCGACTGCTTCTCGACTCTCACTTACTCTGTGATGAAGACTC  
CTCCGGTATTTTGTCCGGAGACTTGCTGGAGTACTCCTCTGACCTTGAATCGGCGGCCAGCAGTGAGGACTCT  
ATCGCCAGTTTCATAGAGGACGAGAGGCACTTTGTTCTGGAATTGATTACTTATCGCGCTTTCAGTCTCAATC  
GCTCGATTCTCCGCAAGAGCCGATTCTGTTGCATGGATTCTCAAGGTTCAAGCATATTACGGTTTTCAACCAC  
TCACTGCATACCTTTCCGTCACTACTTGGATCGATTCTTTATTCTCGCCGCTTGCCGGAACAAATGGGTGG  
ACATTGCAGTCTTTTCAGTGGCTTGTTATCACTTGCGAGATAAAATGGAGGAACCCATTGTTCTTCATTCTG  
GATCTGCAGATTGAAGGAGCAAAATATATATTTGAACCTAGAACATAAGTAAGATGGAGCTACTTGTGCTGA  
CACTTTGAATTGGCGGCTCCGATCCGCTACACCATTCAGCTTTATCGGATTCTTCTTACAAAGTTGATCCCA  
CAGGAACATTTCCAGTTTTCTCAACTCACGCTCCACGGAAAATATTCTCTCCCATATACGAGACGCTACTTTTC  
TTGAGTACTGGCCTTCTGCATTGCTGCCGCTGCTT

>trans\_c\_3578 XM\_002869688|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family  
protein, mRNA



ATGGTTGAATCTTCATTTGTTGATGACCATAAATCGTTTGCGGATTTCAGTTCCTTTGCGAAAATGGCGGAAG  
AGATCAGTAAGGCCGGACTCGGGACTTCCACTTCTGCCTCTGAGACCGCCAAATCCAGATCTCTTTGGCCCTCT  
CTTCTCCGTTGGATTCCCACCTCCACCGATCATATCATCGCCGCCGAAAAGCGACTGCTCTCTCGTCAAGACT  
CCATATGTCCAAGAACGGGTTAATATTGGTTCTGGCCCGCCAGGATCCAAAGTTAGGTGGTTTCGCTCTTCGA  
GTGATGAGCCTAGGTTTATCAACACCGTGACATTGAAAGCAAACCTGAGTCTCCGACCCTTGTAATGATTTCAT  
GGTTATGCTGCTTCTCAAGGATTCTTCTCCGCAATTTTGATGCTCTTGCCAGTCGCTTCCGGGTCAATTGCCGTC  
GATCAACTTGGGTGGGGAGGATCTAGCAGGCCTGATTTTACGTGCAAAAAGTACAGAAGAACTGAACCATGG  
TTTATAGATTCATTTGAAGAGTGGCGAAAAACAAAAACATCAGTAATTTTATTCTACTTGACACTCATTTGG  
TGGATACGTTGCGGCTAAATATGCTCTTAAGAGTCAGATGCCAAGTCTGAGTGGATTACAAAGTTTAGAGCTA  
CTTGAAAGGAGCGGTTTTGAGTCATTTGTGGGAGTCAAATTTTACTCCACAGAAGCTTGTTAGGGGTCTGGG  
CCCTTGGGGACCAGATCTTGTTTCGAGATATACAAGCTCTAGGTTTGGGACATACTCAATCGGGGACATATTG  
AATGATGAAGAATCCAGAATGTTATCAGATTATGTATATCACACG

>trans\_c\_3579 NM\_001071773 | *Oryza sativa* Japonica Group Os12g0103000 (Os12g0103000)  
mRNA, complete cds

CTTCTCATTTACCAAGTAGGAGAATCCATAAAGTGATACAAAGGGATGCAGCGATGAAGACTACCGATTTAAT  
TAACCCTTTCTTATAGTATCTTGAAAATTTGGGTACCTTCCATTTTAACTTTTACAGAGAATTTCCATGATATTTG  
TAAGTTACTAGATGAGTATCTTTCTGACCGTGCTATAAACCTTCCGTATAGGAGTATAACACCTGCAACCTCCTT  
TTTAGTGTTATACTTTTGAATGACGTGCATTTGGCGAGAGTTGTTTGTGGGTCTATTTATTTCCGTGAAAAAA  
GATCACCTTCGGCTGAGAATAGTTCCATTCTGTTGCCAAAACCTGGGATTCTTTTTCAAGCTTCGGCTTGAACC  
CTATCCCTTCGTGTGATTTATTTATTTATGTATTTGCAATGTTGAGTCATTGACGTGTTCTTTATTGTTCTGTTCAA  
AAGGCTGCTGAGAACTTCTTTCACGAGAGCTTGAGCCGTGGGAAACAATTGCAGTTGGAGCATTGTCAGGC  
GGCCTAGCTGCTGTTGTTACAACACCTTTCGATGTGATGAAGACAAGAATGATGACAGCTCAAGGTCGATCAG  
TGTCAATGTCATTTGTTTTCTTTCAATTCTTCGCCACGAAGGCCCACTGGCTTGTTCAAAGGAGCACTTCCCA  
GGTTCTTCTGGATTGCCCCTTTGGGCGCCATGAACCTTGCAGGCTACGAACTAGCAAGGAAAGCAATGGACAA  
AAACGAGAAGCTAGCAGCAGCTGATCAATTGTCTCAAAGAAAGCAGCAGCTGGTTCTGGTTGAAATCCTCA  
CTCCCCATTCTCTTTGGATCCCTTCATAAAGGCTGTGGTTTC

>trans\_c\_3580 GU001147 | *Panax ginseng* cysteine proteinase inhibitor-like mRNA, complete  
sequence

ATTCTTTGCCCAATAATAAATAAAATGCTTAAACCAAACGCATCGCTTCGTGGCGCAGTTACCTAGTTGGCACG  
AATCCCATTTTACGATCGTGGCGCCAAGAGAGGGAGAGAGCGATTCTCATTATCTCACCGCGAAGAAGTT  
TTTCACAAAATCGAAAGAGATGAAAGGAACTCTGGAAATCTCTCCTCTGTCATGAACAATCATTCCACCATTTC  
GTTTTCTCCACTATCATCTACTTTGTCGTTGTTGTTGTTGCTGCTGTTTTTCTTGGATCATCGTTCTTACAGGT  
AACGCATCAGCTCACTTTTGCCTGAGCAGGACGATCCACTCCTTATGGCGTCCACACTTGGAGGCGTTTACG  
ATTCTCAGGGAGCTTCCAACCTCCACCGATGTCGATGAACTCGCTCGTTTTGCCGTCGAGGAACACAACAAGAA  
AGAGAATTCATTCTCGAGTTTGTGAGAGTCGTGAAGGCGAAAGAGCAGGTAGTTGCTGGTACACTACACCA  
TCTTACTGTTGAGGTGGTTGAGGCTGGTAAAAAGAAGCTGTATGAAGCTAAGGTTTGGGTGAAGTCATGGAT  
GAATTTTAAAGAATTGCAAGAGTTTAAAGCATGCAGGCGATGTCCCCTCAATTTCTCCTTCTGATCTTGGTGAA  
AAAAAGGTGATCATCCCCAGGGATGGCGTGAAGTGCCACCACATGATCCTCATGTTTCAGGATGCAGCACAGC  
ATGCTCTTCGAACGATCCAGCAGAGATCTAATTCTCTAGTCCCGTATGAACTGCTGGAGATCATTCATGCCAAA  
GCAGAGGTGATCGAAGATGCTGCGAAGTTTGATTTGCTCCTAAAGCTG

>trans\_c\_3581 NM\_179873 | *Arabidopsis thaliana* catalytic/ hydrolase/ phosphoglycolate  
phosphatase (AT2G33255) mRNA, complete cds

TCTTTGCAAATGTGAAGCTGATGTGAAGGATGCCTGGACTCCTGGAGATCTTGGCTATGGAAGTGAATTTCCC  
GGTGACTTGCTCATTTTTACTATAGTCTCTGCTACTCCATCATAACACCTCTGATTGTTCCATTCCGGTGTCATAT  
ATTTTGGTCTTGGATGGCTTATTCTTCGCAATCAGGCCCTGAAAGTTTATGTTCCCTTCTATGAGACCTATGGAA  
GAATATGGCCACATATATTCAACCGGATTGTGGCGTCTCTCTACTGTACCAACTTACCATGTTCCGGTTTCTTCG  
GAGTGAAGAAATTCTACTATGCTCCAATCTTAATCCACTCCCCATAATCTCCTTGATATTTGCCTTCCTTTGTCA  
CAAAAAGTTCTACCGATCTTTCGCCAACACTGCTCTTGAAGTTGCTCGTAATGAGTTGAAGGAAGTTCCCAACA  
TGGAACAAGTTTTCAGATCTTTCGTTCCACCGAGTTTGAGCTCCGAGAAGGTCGAAGATGACCACTTTGAAGA  
TGCACGATCTCAAGTATCGAGAGCAGGATCATTTGTCTGATAGAAGTTTACATAGTTGTTCTTGGTTTGGCCAT  
GAATCTTGTGTGAAAGTTAGATGGAAAGTGTGATAGTTTGCATTTTAGGGATCAAGAAGTTTAGGTTGTGAT  
TAATGTATACCTCACTTTGTTGTGTTTATGGATTAGTTTAAATAGCAACGAGAAAGGTAAGTAAAGTCGTGTGTA  
CAAGAAGAATGAATGATTCATAGAAATTCTTCAATGTCTTCTGTATTTAATGATAATAGAAAGTGTATTTCCTT  
TCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3582 NM\_001055708|Oryza sativa Japonica Group Os03g0182400 (Os03g0182400)  
mRNA, complete cds

CTTCTCTTCATCCTTTCTTCTCTCTCTCTCTCCATAGGAGTACGATCTGACTGATTCCATCTCTATTTCTT  
CAAAAAAGCTGCTCATCCTCGTCCTTCAACTACCGCGAGGGAGTTTTTTCGGTGTTGGAATTTGAGTTTTGGG  
TAGTTGATATAGTTTGGTTTTTGGTGGTGAACCCGGGCCTTGAGGCTCGGAGATCGAAAACATGGGTGCG  
GAGACTGAGCAGCAAAGCTGGATTGATGATAAACCTGATCCCAATTTTCACTGCTTGAGAAATTCAGGCTAT  
ATGAGACGCGTTTGAATTTTATCTGATTGGAAGAGATAAGAACCGAACGTTTTGGAAAGTGTTAAAGATCAG  
CAGATTGGAACCAAGTATCTGAACATTCTGAAGATTCTACCACATATACGGATAATGAGTGCTTTGACCTGC  
TGAAGCGGATACACGAAGGAAACAAGTTAACGGGTGGGCTTAAATTTGTGACCACTTGTTATGGAATTGTTG  
GTATCATCAAGTTTTTAGGACCGCATTACATGATATTGATAACAAAGCGAAGAAAGATTGGAACCATCTGCGG  
CCATGCAGTTTATTCAATTACAAAGAGCGAAATGATTCCAATTCCAAATTCTACTGCCCGGTCCAATTTGGCTA  
TTTCTAAGGATGAAAACAGGTCTTTAGTCCATTTTAAATGTAAATGTAATATGTCCTTGTTCTTAAGGAGACCT  
AAGGGGGTAGCTTTCAGAAATAGTGATACATGTACTTCAATTAGATTTTTGTGGTCCTATATTATTGTGATGA  
CATTGACAATTAACCTCTTGAAATATTTTTTTTTTATCTGTC

>trans\_c\_3583 EU860093|Arachis hypogaea pathogenesis-induced protein (PIP) mRNA, complete  
cds

ACCAAAGGAGGTTGAGATTCAAGCTCTCTTCCATTATCACCTTCTTTCGCAAAACCTCAAACCCCACCCACCCCT  
CCCCTCCCCTCCCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCAACTCTTCTCGCCGCGTCTCGCCTGAATTCTA  
TTCTATCCAATCATGAACGACGACAATGCATGTGGAGTTATGGAGGCTCAGTACATACGCAGGCATCACCGTC  
ATCACCCCAACCACAATCAGTGTACCTCTGCCGTTTTCAAGAACGTTAGAGCTCCCGTTCCTCTTGTTTGGTCAC  
TGGTGAGGAGATTTGATCAGCCCCAGAAGTATAAGCCTTTTGTTAGTCGTTGTGTGGTGAAGGAGACCTGG  
GCATTGGAAGTGTGAGGGAAGTGAATGTGAAATCTGGTCTTCTGCTACCACTAGTACTGAGAGATTGGAGC  
TTCTTGATGATGAAGAACATATTCTCGGAATCAGAATCGTGGGTGGAGATCACCGGCTCAAAAACACTCTTC  
CATCATGACCGTCCATCCGAAGGTTATTGATGGAAGACCTGGGACACTTGTGATTGAGTCTTTCGTGGTCGAT  
GTGCCTAATGGGAACACAAAAGACGAGACGTGTTATTTGTTAAGGCGTTAATCAGATGCAATCTTAAATCTT  
TGGCCGACGTATCGGAGAGAATGGCTGTGCAGGGGCAAACCTGAACCGCTCGAGAAATAGTTGGTTGGGAGG  
AAAGCAACTGAACATTGATGATGTGAATAGTTTCATGGTAGACCCAGAGGCCATTTATTTAGCTCCCACTTGT  
GCTATGCCATGTAAAGATTGTTTCAGAGCTATCCTATCACATTCTCT

>trans\_c\_3584 NM\_001052115|Oryza sativa Japonica Group Os02g0100200 (Os02g0100200)  
mRNA, complete cds

TATGTAGAGCGATGACAAAAAGTACAGCGAACTACGATATGGACTCTGAAGATGAGGGATGGCTGGTCGAG  
TTTAATAATGGGCTTATTGCAACAGACAAGCACGAAGAATGTGCCTCAGAGGATAATTTTGAGTCGACGGTTG  
ATGCTTTTGAGAAGGGATTTTACTGCAATCCTGATGCCTTCTCTGACGAGAAAGCACCTGCTGATATATGCACA  
CCTCTTGGTAGTCATTCGATCGTAGAGTCTTTATATACTTATTGGACAAAGAAACGGAAACAAAGAAAGTCAT  
CTTTGATAAGGGTTTTCCAGGCTTATCAATCAAAAAGGAAACCTCCCCTGGTCCCTAAACCTATGATGCGGAG  
AAAAAGATCACTCAAAAGGCAGCCTAGCCAATCCGGGAGTTGTAGAACTCCCCAACCAAGTATTTTGGAAGCC  
ATACATTGGAGACGAGATGCTGTGGAGGACCAGAATGCTGTGCAGAAGTATGAAGAATCGAAGGCAGCAGC  
AGAGAAATGCATCGAAAACGCTGTTAATAAGCGGCAAAGAGCACAATTGCTGTTGGAGAATGCAGATTTGGC  
CGTATACAAAGCCATGTCAGCACTCAGAATTGCGGAAGCAATTGAAGCAACAGACTCTGCTGGTGCTGCTGCT  
ACTGCTGCTTGTCTTCGAATGAAATTTTACCTTCGAGAAGTGCCACATTCAATTTTTCATCCAAATCCATGGC  
TTCTGCTTTTTCTTTTAATTAATATTGTATAGTATTTTATTAATGTGTACATTCTATTTTGTATGATTAGTTGA  
ATCTTTATCACCCATTATGTAGAATGAGATGTCCTGATTTTTCCAGGG

>trans\_c\_3585 NM\_113124|Arabidopsis thaliana OTU-like cysteine protease family protein  
(AT3G22260) mRNA, complete cds

GGGCTAAGCTCTATTTGGGTGCCGCTGAAGGATTGAACAGAAGCTCAATAATTCGATCGTTTCCTTTTTTCGTT  
GCTCAATTCATGTGAAGTTGAAGGATTAATCGAGATTTGATTTTGACGCAAACCGACTCGATCTTACTTGAATT  
GCTTCCGATTTCAATTTTAGCAACTAGTAGCTGTCAAGGTAATATGACTGATAACTACAGCAACTTAAGTGTA  
GCTCGAGCTCAAGTTTGAATAGCAGCTTTCAGGACACTGAGGATGATCATAACAATTGCCAGAATCTTGGCAGA  
GGAAGAAAACCTGAAGTTTGATAACAAGCTCGGGAAGAGACTCTCTCATCTGGATTCCATCCCTCATACTCCTC  
GGGTTAATGGGGAAATACCAAACGTTAATGATGCAACCTTAGACCATGAACGGCTGTCAGGAAGACTTGTC  
CATATGGTTTAGCGGAGCTACAGATGGAAGGTGATGGGAATTGCCAGTTTCGGGCATTAGCAGATCAATTATT  
TCGAAATCCTGATTACCACAAGCATGTAAGAAAGGCAGTCATCAAACAGTTAAAGAAATTCAGAAAACCTATAT  
GAAGGCTATGTTCCAATGAAGTACAAAACCTACCTCAAGAAGATGAAAAAATCAGGTGAATGGGGAGATCAC  
GTTACTCTACAAGCAGCTGCAGACAGATTTGGTGCAAAAATTTGCTTAGTCACATCTTTCGAGACACCTGTTA  
TATCGAGATCCTCCCCAAGACAATAGTCCCCACAAAAAATTTGGCTGAGCTTTTGGTGTGAAGTGCATTACA  
ATTCATTGTATGCCAGTGGAGATCTTCTACAAGAACGCCGAAAAAAA

>trans\_c\_3586 NM\_121360|Arabidopsis thaliana DCP2 (DECAPPING 2); hydrolase/ m7G(5')pppN  
diphosphatase/ mRNA binding / protein homodimerization (DCP2) mRNA, complete cds

CATTGAGGTGAGGGTCCAAGAAAAAGAGCTGAAAATCTTCATCCTCCTTTCTTCTCGATTTCCAATTCCTCAAA  
CTCCATGGCCGCTCTCCAACACTCCTCTTCCACTACCCGGTCAAAAATGGCCTTCCTCCTCAAGAACTCATCGA  
CGATCTTTGCAGTCGGTTTGTGTTGAATGTGCCGAAAGAAGATCTACAGTCATTTGAGAGGATTCTATTCTCA  
TAGAGTATGCACATTGGTTTTATGAAGACAATTCGGTGGAAAGGAATCCATCTTTAAAGTCATTGAATCTGAA  
GGAGTTCATTTCATTATTGTTTAAAAGCTGTGATGTTTTAAGACCTTATGTTGCCCATATTGATGATATCTTTAA  
AGACTTCATTTCATACAAGGTTTCGAGTTCCTGTAACCTGGGGCAATCGTACTGGATGAGACATTTGAGCGGTGC  
TTGTTAGTGAAGGGACGGAAGGATCTAGTTGGAGTTTTCCACGCGGTAAAAAGAGCAAAGATGAGGAAGA  
CCATGCTTGTGCCATTAGAGAAGTCCTGGAAGAAACAGGATTTGACATTAGTAATCTTCTCAACAAATCTGAAT  
ACATAGAAGTTATATTTGGACAGCAGAGGGTGAGGCTATACATCATTGCAGGCGTGAAAGATGATAATATCTT  
TGCCCCGCAAACTAAGAAAGAGATCAGTGAAATTGCATGGCATCGACTCGACGATCTTGAACCAGCTAGTGAT  
AATGTAATATCTCGTGGGATGAACGGGCTCAAACTTTATATGGTTGCTCCTTTTTTGGCTCTTTTCGTGCAGATC  
TCTGAGGTCATGGATTTTGACACATCATCCCCCTGTCCATTCAA

>trans\_c\_3587 NM\_121172|Arabidopsis thaliana GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family  
protein (AT5G11340) mRNA, complete cds

ATCATTTGCAATTGATACGATCCAGCGCCTTTTATTCTTCTTCTTCTCCTCTAACTCTGAAACTTCTTCTTCTT  
CTTCTTCTTTGTATTTCTTCGTTCAACGGCAATGGGGGTGGGGCGCCAAGTCCCAATTTGCTCGACGGAGTGA  
GGGATAAGAACTTGATGCAGCTCAAGAAGCTGAATACAGCCCTTTTCCCTGTTGCTATAACGAAAAGTACTA  
CGCCGACGTCCTTGCTTCTGGCGAGTTCACCTAAGCTAGCATACTACAGTGATATATGTGTTGGCTCCATTGCAT  
GTCGCTTGAGAAGAAAGAACATGGATCTGTGCGTGTCTACATCATGACCCTGGGTGTTCTAGCACCTACCG  
TGGACTAGGCATCGGCAGTAGACTGTAAATCATGTTCTTGATCTCTGCTCAAAGCAAAACATTGCAGAAATCT  
ATTTGCATGTCCAGACAAATAACGATGACGCTATCAATTTCTATAAGAAATTTGGGTTTGAGATTACAGAAACC  
ATTCAGAACTATTACGCAAAACATTACCCCGCCAGATTGCTATGTTCTTACCAAGTTAATCACTCAAACCTCAGACC  
AAGAAGTAACCTTTCAACTTCGAGTTCATTCTGAGTTGTGTCCTACAAAATTGTTTTGAACAAGCTATGTTATG  
GGAGTTAGAGGGCTTTTGACATACAAATTTAGTTATATAAATTTAGTTAGTCAATTGGGGTCTCGATGGATTTT  
TGATAATCAATGTCATGGGAGTTGGAGGGCTTTTGACATACAAATTTGTCCCGTCTCTTAATTGAGTAAATCT  
TTCTGTGTGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3588 AF056969|Arabidopsis thaliana carboxyltransferase alpha subunit (CAC3) mRNA,  
nuclear gene encoding chloroplast protein, complete cds

AGAACTTGAGGATCTAAAGAAAAAGATTCTAAAAGTTAAAGGTCCACCTGATCCAATCACAGCCCAAACGATG  
AAAAAAGTCAAGCAAGATGTTGACAAAGAGATGACCGATGCATTCATCTCCATGGGCTTACAAGAGAAGCTT  
GAATCTCTCCAGATAGAAGCTCTCCACAGCTGCAGATGAGTCACCTAATCAACCACTCAACAGAAACCTCAAGG  
AAAAAGTAGCCAAATCATGCAAGAATTCAAGCAGAACTTATCAAAGCCTGGCTCCTATTTAAGTTTGAAACA  
GAAGCTTCAGAACTAGACATGGTTAACAATCTCTTTGAACAAAAGAAGAAAAGCGAGGAGCTTAAACAGA  
GATCAACAACAAAATTCCACCAGAGACAAAAGCAAACTGAAACATTTGAAGGATACTTGGGACAATACCATC  
TCTAATGGGGCCCAATTGACAAAGAACTCGTAGAAGAACTCGAAGGAGTCAAACAGAGCTTGTCAATGTC  
TTAAAGACAGCAAATTTAGAAGTCATTGGAGTGGTGAAGAGAGCGCAGCCGCCCAACAGAGGAGGTGAA  
AGAGAAGGTGCAGCGCTTGAAAGAGGAGATCAATGGAGAGATTGAGAAGGCCATAAAAATGGAGGGGATT  
GGTGAGAAAATTGAGGAATTTAAAGCAAAAATGGCGGATGGGTTGGATCTGAAAGAGGTTGAGAGGATAAA  
AGCTGAAATAAAGGAGAAGATTGTTGAAGCTTTAGAGGCATCTGGGTTGAAAGAGAAAGTGGAGAGTCTGA  
AAATGGAGGCGGCGTCGTCCATGGCGGCTGGTGCAGAAAGGTATGGTTGGTGTAGATAATGGCAG

>trans\_c\_3589 XM\_002888602|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATNAP3, mRNA

CTCTTCAAATTCCTGTTCTTTGAAGGTACTGTTGCTGACAATATAAGATATGGACCTCAGTTGAGGGGAAA  
GAAGCTGAGTGATGATGAAGTTCATAAGTTACTCAGTCTAGCAGATCTGACTCGTCTTCTTTAGCAAGATCG  
GCTCCGAAGTATCCGTTGGGCAAGCTCAACGTGTTGCGCTTGCTCGAACCTTAGCCAATACACCTGAGGTATT  
GTTGCTGGATGAACCAACAAGCGCATTGGATCCTATCTCGACCGAGAACATCGAAGATGTATTGGTGAAGCT  
GAAGACGAAATGGGGATTAAACAATCGTAATGGTTTCACATAGCATCAAACAAATCCAGAGAATTGCAGACAT  
AGTTTGCCTACTCGTGAATGGGGAGATTGTGAAAATTCTACCACCGAACAACTCTCGGAAGCAAAGCACCCG  
ATGGCTCTCAAGTTCCTTGAAGTCAAGTCTTGAACCAACGTGCATTGTTGTTGTTATGTCCTCTACTCCTGAAT  
GTTTGTTGCTCTAACAAGTCTGGAAAAATAAGCAACTGTTGTATTCTATTAGTGCAAGGTGTGATAACTGTTA  
TCTAGATGGAAGTCAGATTGAGCATCGGGATGAAGAAAGGGAAGAGGAGTGTGAGAGCGAAAAATTTGTAG  
GAAGGAATGGCGTTGGCAAAGTGAACCAATAGGGGCGGGGACCGATCCAATGGTCTGCTCTGATGCACGCA  
GGCTCCCAACATCAGTCACGTGCTAGGTTACCTCCCGGACCCACATTCACTCTGGCACGTACGATCCTCCCT  
TCTTCAGTAATTTCTTTTCTTTTGAATTTACCAAAATGTTTAATGC

>trans\_c\_3590 NM\_001063328|Oryza sativa Japonica Group Os06g0146300 (Os06g0146300)  
mRNA, partial cds

ATGGCTGACAGCTTAGAGCAGATATAGCTCTCACCTTGTTTCATGGCTTCCTCATTCCCAAATCCTTCTTTCCCC  
ATTGTTCTTCCTAATATCCAATCAACCTCATCCACACATTTCCCTTATCTTATCCTCCAACCTCCCTCACTGTC  
TCCCCCAAATTTCTCACCAAAAATGGGTCCGTTTCAAAAATTCATGGTAAGTTCGAGAAATTTCAAGGCGAG  
ACTCCCCAAGATGATGTATTAGATGCTAATCCATCATCGTCGTTGCAACAACAGCTGAGTCAGGAGGTTGAAG  
AAGATGACAGCTGTTTGCCTTCAGACTTGGAGGGAGCAGTTAGGCAATCTGGAGAAGCTGCTGGCCTGTTTG  
TGTCTTCGGGAGGAGCAAGAGCAATAGTTGAGCTCCTTATCCCCAGCTTCAGTTTCTGGACGATGAAGGTGC  
TCAGGCTGAACTCTGGGAACTCTCAAGAGTTTTCTTGGAGTCACTCATTGAGGAAACAAATTGTGAGAAAGTT  
AAAGCTGTGTTTCCAGATGCTGGGGCTGCTGCGCTTCTAGAATATCGATGGAAAGATGCCTCCTTCAAATTTCT  
CAGCTTAAGCGATCGAAAACCTGTAGATATTGCAGATGAGATAGTTGTTATGGTTGTTCTGATTACCAAATGT  
TGGAAAATGTCCAGAAAATTGCAGCTGCCCTCTCAGACGACCCGCCAAGGCCTTATCATGTGGAACCTCG  
TCTCATCAGCGAAGATGTAGGGGGTTGGATTAAACGTTCTGAAAATTGAGAAGATACTTTTTAAGCACGTTTAC  
AACAGTCTACTCCATGAGGCCTTTGCCATCTGGAGCTGTCTT

>trans\_c\_3591 AL161494|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 6

CCCTCATCTCCATTTTCGAATAGCAAACCTTCTCCATTGAGCTCAACCCCACTTCCTCTCTCATTTACCGCTGCTGT  
GGAGGATTTTCTCGAGAAACAAATAACGTTTCAAGAATCTTTTCTCCGCTAGCAGCGTTTTCATATCCAATGGC  
TCGCTCTTTCTCCAACGTTAAGATCCTCTCCGCTGTTGTTCCGATGGATTCTCCTCCCTTCTCACCAGTCGTGGT  
TATGCGGCGGCGGGGTTCTCAAGGAGTTGCGTCGAGTGCGGTGAAAGGAGCAGGTGTTGCGGCGGCGA  
GGAGCAGTAATCTGTTGAAGAAATCGGGAGAAGAGAAGGTTGTTGGATCAACTGAGAAGGTTTCTTGGGTG  
CCGGATCCTGTCACGGGGTATTACCGACCGGAGAATCGATGCGATGAGATCGATGTTGCCGAACCTCCGATCG  
ATTCTTCTTAAGAACAAAACTAAAAATCTTTTTCCGGAAGGAATTTATATTAAGAAAAACGTAAACGAAA  
AGAGACCTTCGGGCTTCGGATCGAGATTGAAAGAGGATTGGATCGGGCTTGAGTGTGGAATTTGTGAAACAA  
TTTGGGGATTAAGAACAGGCTCTACGACGAATAGCGGTTAGAGATTCAACCGACGGTGTGTTCTCAATTCCTG  
TTTAGATGTTAAGTTTGTGTTACTATATTCTGTTCTTTTTATGAATTCGAATGTTCTTCGGGTACTGTAATCTTGA  
AATACTACTACACAATGAATGAATATAGGCAGTAGCCTTTGGTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3592 AJ871580|Glycine max mRNA for beta-amylase (bmy1 gene)

CTAGTGAGCTAATTGCTCAATGTGATCGCCTTCTCTCTTGCCTCATCCGTCTTTGGCAACACCGAAGCAACCA  
TTCATGGGAAGGTTCCATTGATGCATTCTTGGTACAAAAGTAGATCACACCCAAGTGAATTAACAGCCGTTTC  
TACAATACTGCCAACAGGGACGGGTACGATGCTGTAGCGGAAATGTTTGCCAGGAACTCAAGCAAAATGATC  
TTGCCCGGGATGGACCTATCAGATCAACATCATCTCAATTATTGCTATCAAGCCCCGAGTCATTAATAGCACA  
AATCAAGTCAGCTAGCAGAAAGCACGGCGTAATGTTGTGAGGACAAAACCTCATCCAATACGGGACCTCACGG  
GGGCTTTGATCTGATAAAGAAGAATTTAGATGGCGAGAATGTGGAGTTGTTACATACCAGAGAATGGGAGC  
TTACTTCTTCTCTCCGAGCACTTCCCTTCGTTTGCTGAATTCGTTTGAAGCGTCCATCAACCTGAACCACATTC  
AGATGATCTTCTGTGCAAGACAAGGAAGAAGAAGACATTGTTGAGATGCCGTGTCCAGTCCCACGTCCGA  
AGCACAGATGCAAGCGGCATAAGAGAGGCCAGAACAGATAGTAATGTAAATATAGAGCGAATTGGATTATC  
ATCGAGTAGAAACAGCCTTCTAAAAGATAACTGAGATATTGTTTGAGCCATTTTCATGCTGTGTGAATAACTTAA  
ATTCAAGCCTTGACAAATAGTGTACTTTAGAACGAGGATTTATATACAACACATCCTCGTAAGAATCAGCTCTG  
CATATGCTCTGTAAGAAATATGTTTGGTTCGAAGCAGCAGATACTTCA

>trans\_c\_3593 XM\_002888546|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata rubber elongation factor family protein, mRNA

ATATCTTTTAGGAACTACTGGAGCAGCCAAAATCCCATTCTCGAAGATTAAAATCACTATGGAGAGTGAAA  
GCCAGAATTTGGAGTTGAAGCATCTAGGTTTTGTGAGGATTGCTTTGATTCAAACGATTGTTTGTGTTACGAAT  
CTGTATGATTACGCGAAGCAGAACTCTGGACCTTTGAGATCTGCGGTTGAAAGTGTGGAGAGCGCTGTAAAC  
ACTGTTGTAACCTCCGGCTTATGAAAAGCTTCGAATCGCTCCTGATGATGTTCTTGTGTTTTCTTGATGGGAAGGT  
TGACAAAGCTACACATGAGTTTGATAAACGTGCACCTCCTCTAGCAAAAACAAGCAGCTCAAATTACTCAGCATT  
TCATCCAAAAAGCTGCTAGAACTGGAAAAGAACTTGTGAACGAGTTTCAAACGGCGACCACGCGCAGCCT  
TTCATATGCAGCGAATGAGTACAAGCAATTGGTTCTAGACCAAGGAGTGAAGATGTGGGCAGGACTCAACC  
GGCTTCCATCGTTCCACAAGTTCGCAGACATGGCAGTGCCGACTGCAGCTCAGTGGTTGGAGAGCTACAACA  
GCAAGGTGAAGGAATTGAGGCAGAAGGGTTACCATGTCTTCGACTATTGTCCCGAGGTTCTGTGAGTAAGA  
TAGCAAAGGCATTTAAGCAGGGCGAGGCGAAGGAGAAGGAAGAGACATCTCCAATACTCCTGAACAAGCT  
CCATCCAAGAACGAAGCAGGTTTCGGATTCTGATTCTGATTTCGGACTCGGCTTCGGTTGCAGGTCCCAATTAGA  
AAATGGGGATTGATTAGCCAACGGGTGTGGTTTGGCAGATTTGTAGATCATGAT

>trans\_c\_3594 U66277|Cucurbita maxima phloem filament protein (PP1) gene, complete cds

AAGCATAACCACAAGAGCCTACTACCTTTCTCCAAAAATAAGCTAAAAGGAAAGATATAGCGAAGATGAGTTG  
TTTGAAAAAGGGGGAGTGGATAAAAATACCTGATGTATCAACACCGTGTGTTTCATGATATAGCACTTTTGCA  
GTGAACCAACACAACAACGAAAGTGGAGAAAAATTGACACTCAAAAGTGTGTGAAAGGATGGTTTTTGGAG  
TTGAGTTATGATAGATTAAAGCATCGTTTGATCCTTACAGCAACAAACGACAAAGGAGTTGTTAAACGTACG  
AAGCCATTGTGTGTGTCATAGAAAAAGTGGGTTTCAAAGAGTGAGGAACTCCTATCTTTCAATGCCGGTTA  
TTTGATGAGAATGGAGATCTATTTTGGATTGAAATTCCTGATATTAATCAGCCTTGTGTGCAAGACGTGGCA  
AAGGCTGCTGTGGCAGCAGCATAATGAAAAAGAGCATGATAGTCTGTCTACATTTCTATCACTCAAGGTTGGT  
ATCGAGAACTTGACGTGAATTATGCTATATTGTTCAATATTCATCTTATCACGAAGGATTGTTTTGGACGAGTG  
CGTGAGTTTAAGGCTTTGGTTCTCGAAGACAAACATGGAAAGGACAAAATTCGAACACTCAAATCTTTCGAAG  
TTATTAATAAATGTTAAAAAATTGCTATCTATGTGTACGTAAGAGTACGTTATGTTATATGTTATGTCTAAGTTC  
TTGACTATATATATCCATAAATGAATAGTCAAGCGTTAAATTAATAAAAAGCTAGGTTTTAAATTATATGTCA  
CTCTTTTATGTCAAATTTTAATAAGGAAATTGTTTATGTTATAACTAT

>trans\_c\_3595 AB531023|Malus x domestica MdVOZ1 mRNA, complete cds

AAGGTTCTAAGGCAAAGGTATCTAATGATTGAGTTGCTGATTTACAGAGGCAAATGGGGAGACTGACTGCCG  
AATTCCTGATAATAAACGCTTTGTTAAGGGGAGGACCAGAATTAACACAAAAGTTGGTCTTGGAATGTTTA  
CCCCTCAGCAAATAGAGTCATGCCGCCAGTGGAACCTTATGACTATATGCTTCATGCCCAATATGATTACCTTG  
TGGAGAATTTGAGTGAATATTACCTTACATAGTTAAGAAGCTCAGTTGTGCAATGAATTGCATGCTCTCGTGGT  
TTCCATCGGAATATGATGGGATCGAGTTTACGGTTCATTCTTTCATAATTCGGTTTTTCTTTTGGCCTCAAATA  
ACATAAATAACTTCTTTCTTTTTCTTTCTCTCATGGTATACTATCTAATACTTATGTCATGGGAGCTGCGAC  
GATTACACCTCATATGGAGCTTCTAACTTCTGGAAACGGTAAGGCTGGTTGTTCCCTAATATTTTGGGTTAC  
AATTTGCATTTGGTAGATTCTAGAGGGAGATTAGTCACCTGAAACTCAGCTGAAGCCTTAGTATTGATGTATAT  
TTGTTTCCGCTGGTGTTACAACTCCAATAATGGTTTAGTGATATGTAATCCGCTTACATTATGTTATGTTATGT  
GGCGGATAATACTAGTTTTTATTTTATTCCCTGTCAATTGTCAACATACACATCTTGAGTGATCTTTTCGGTCAT  
CTCTCAAGATATTGAAATGTATATTGCTCGAAGGTTACGACTTGTTAACCATTATCAGAAATGTAGATTTACTG  
AATTATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3596 NM\_001068730|Oryza sativa Japonica Group Os08g0508100 (Os08g0508100)  
mRNA, complete cds

ACAGGAAGAGAGATGAGGCTGTTATGGAAGCTTCTAGATTA AAAATACGCCATGGCTGAACTGGAGAAAAAAC  
TGGACAAACTCGAGACGTATTGCCATAGTTTGAAATCCGGGATCGAAGAATGTAGCGGTAATTCGCCTTGCCA  
AATTGGGAAGTATAATCAAATCCAGAGTTTTCAACAGAGTAATCAGAAGCAAGTAATAGAACATTTCTTAGTT  
TCGGTATCGGAATCTCGATCTTCGATTCTGTTCTTAGTCGTTCACTCACTCTGCAACTCCGTCACGTCGGAGCC  
AAAGTATACGAACGAATTTCCCTTCTTCTCAACCTTACGATATCAAAATCTCATTCTCCAAAAACCTAGAAGC  
ATGCTTTTCTACCTGAAGCTCTACTCAACCAAGCATTCTTCGAGGATTTTGAATCAATTGGATTTCAAAAGAAC  
GCATCGACTCAAGTTCTAAATCCAATCGAAAGATGCGAAGCGAATTTTGAATGTTTCAATTTTCTCCATGAATT  
AACCTGGGAGGAGGTTCTAAGCAAAGGCACAAAGCATTTTCAAGGAGGATTTTCAAGCCGTTTTGCGACCGGAA  
AATGAGCGAGATCGTGGCGATGCTGGGATGGAACAGAGCCTGGCCGGAGCCGCTGCTGCAGGCGTTCTTCA  
GCGCGTCGAAGAGCGTGTGGCTTCTGCACCTATTAGCAAATCCGTACATCCAAATCTGCCAATTTTCAGAGT  
GGAGAAAGAAGCCGATTTGATTCCGTTTACATGGAGGACATGGGCGGCGATAAGGCAAGAAAGCTGATAC  
CGTCGTTGGTCAGAATAATGATTTCCCTGGTTTCTATGTTTACGGCAGT

>trans\_c\_3597 XM\_002866580|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L17 family  
protein, mRNA

AAAGGGTTTTTCCCTCTTCGAGCTCAGTCTTTGCTCTCTATTCGCCATTAACGATGACGAAGTTTAGAAAGCTT  
GGTCGACCTGCAGCACACCGGATGTCCATGCTCAGAACAAATGGTTTCTCAGTTGGTGAAGCACGAACGCATTG  
AGACTACTGTTGCTAAGGCTAAAGAAGTTTCGGCGGCTTGCTGATAACATGGTTCAACTGGGAAAAGAGGGTA  
CCCTTTCTGCTGCAAGGCGTGCTGCTGCTTTTGTAAAGAGGCGATGCTATCCTTCACAAACTATTACAGAACTG  
GCTTATCGATACAAAGATAGAGCTGGTGGATATACAAGATTTCTGCGCACTCGGATACGTGTTGGTGATGCTG  
CACCAATGGCTTATATTGAATTTGTTGATAGAGAAAATGAGCTCAGACAGTCAAAGCCTCCAAATCCTCCACCA  
CCTCAGAGGCCTCCATTGGATCCATGGACTAGATCACGGCTTAGCAAGCAGTTGGCACCACCCAAAGAGATCA  
AATCCGACTCTGAGATCTAATACTTCATGTTTAAACAAGAAGGCTCCCCCTCAAGAAGTTTCTAGCCACCACC  
CCGTCCAATTTGTTTTGCAAATCCAGATGTAAACCAAACAAGTATAGACAATGCTTAAAGCTTTCCCTCAAAC  
AAGGAGTGTTTTTCAGCTCTCAAAGTTTCCCATTTCTTGTCTTATACTGTTTCATCTATACAACATGACATCGG  
ACCTTAAACTGATAAAGGCTGAGTCTCTCTNCAGTAGAATCTCAACTTATTCAAAAAATATATTATGCTTTAG  
GTGACTTTGGGTGAATATAGGTGAGGAACAATGGGTGATGGTGG

>trans\_c\_3598 NM\_001057036|Oryza sativa Japonica Group Os03g0565500 (Os03g0565500)  
mRNA, complete cds

ACCAGAGTGGGCAGCTCCCCTAAAACCCTTCTCGATTGCGGGATAAAATTGACGGAATAGCTTGTCTTACAAT  
TATGTTCTCAAATCAAATTTAGTTGTTGATCTGGAGGGAAAGTGGTTCAATATATCCACATACTACCCATACT  
GCCCTTGGCCTCCTGTCTGTTTTTATGTAAATAATCAAATTCAGCACGTTGAGTGACAGTCTCTCTGAAGTTCA  
CACGAGGCTTTCCAACAGTTGCGTCAACCTTGTACTCTCTCTGATGCGTTCAACATAAATATCCAAGTGTAAC  
TCTCCATCCCTGAAATTATTGTCTGCCACTCTCTGGATCTAATCCAACACGGAAAGTAGGGTCTCTTTTTGA  
AACCGATTCAAAGCCTTTGAGAACTGTCTCCAGAATCTTTGAAACTGGTTGTACTGCCAATGACATCACCGG  
CTCAGGGACGTTTCATAGAAGTCATGGTGTATTTAACTGACCCATCCGTAAATGTATCTCCGATGCACAGTCCA  
CCCCAAAACTGCAACTATTTGCCAGCATGTGCCTCTTGAATATCCTCCATCTCATTAGAATGCATCCGGACC  
AAGCGAGGAACCTTAATCCTCTTGCTGTGTTTACATTGACAATGAACTCTCCCTTCTTGATGACACCTTCATAG  
ATTCTCAAATAAGTTAGCTGACCAAAACGACCTTCTCCAATTTAAATGCTAATGCCACAAGCCGTCCATCTGG  
AGAACCACTCAATGCAATCTTCTTCTTCTTTGTTTGGTCCAAAGCATAATTGCTAACTTCAATTGGACAAGG  
CAAGTAATTAAGAACTCCATCTAAAAGTGGCTGAACT

>trans\_c\_3599 XM\_002320350|Populus trichocarpa methyl binding domain protein (MBD903),  
mRNA

AGATTGCGCCATAGACGGAGAGAGAGGATCGTCGGATGAATGGCCGCCGCCAGGCCTCCCAAGACGCC  
GATAAAGTCAACACGAGTCCCAGTGGGTCTATTTGCTGCGCAATGTGAGGAATGCTTCAAATGGAGGTTAATA  
AGTACCCAAGAGGAGTATGAGGATATTAGAAGCAGAATGATAGAAGAACCTTTCACCTGCCAAAGGAGAACC  
GATACTTCTTGCGAAGATCTCCCCGATTAATACTATGATACAACCTCGAACATGGGGAATTGACAAACCCAACAT  
CCCAAAAACCCCAAGGTTTCACTAGACGTTTAGTGCTGAGAAAGAACTTCACTAAATTTGATGCTTACTATG  
TTACACCCACAGGGAAGACAGTGAGATCTCCAACAGAGATATTAGCTTTTGTACAAGCAAATCCTCAATACAA  
AGATATAGCTCTTTCAAACCTCAGTTTTGCTGTCCCAAAAATAATGGAAGAACTGTTCTGAAAGCATCTTGA  
AAGAGGGTTTAAATAGCAGCAGTGCCAAAAGAATTAAGAAAACAAAGAATGAATCTGCCCATACCGAATGAA  
TATCACTTGGGATTTGCTCGTAGCATTCTAGTGTTTGATCTTAACCCTTGTAATGATTTGATATTGAGTTAAAA  
TG TAGAGTGATGATTCTCCACTATTATTTTACCATCTTCTTTTCACTTATGAGGAGAGTTGGGGGTATATTGT  
ATCATATGGCCATGTTTGATGACTGTCTGAAGATTGTGTTGGACTTGAGTGAATTTGACGTGAGCAATGAGCA  
GTGACAAATGTCTAGGAAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3600 AF349961|Daucus carota ribosome protein L23a mRNA, complete cds

ATTGCTCTTAATTTTTTGCATATTTCTTCTCTCTTTGTTTTGCCTTACCCGTCCATCTCGCCATTCTCTCTTCGC  
AGGTAAGTTTTTCTGGTCAAGGATCTTCAGCAATGGCACCTAAAGCCGACAGTAGCAAAAAGGCTGATCCCAA  
GGCTCAGGCCTGAAGACTGCTAAGGCAGTCAAATCTGGCCCAACTTCAAGAAGAAGGCTAAGAAGATTAG  
AACTTCAGTCACATTCCATAGGCCAAAGACATTGAAGAAGGATAGGAATCCCAAGTACCCTAGGATCAGTGTT  
ACTCCAAGGAACAAGTTGGATCAGTATCAAATCTGAAATATCCATTGACCACAGAGTCTGCAATGAAGAAGA  
TTGAGGACAATAACACCCTGTCTTTATTGTTGACATTCGTGCCAACAAGAAGAATATTAAGATGCTGTCAAG  
AAGATGTATGATATTCAGACCAAGAAAGTTAACACTTTAATCAGACCCGACGGAACGAAGAAAGCATATGTTA  
GGTTGACTCCAGATTATGATGCTCTTGATGTGGCAACAAGATTGGTATCATCTAACTTCAGAGCTTGGAGC  
GAACGTTTTTCATTGCAATTTGTTACATGTTTAAATTTTGGAGAGGATTTTGTAGTAGGACCCTAGTTTTATTTA  
GCTTCCTTTTTAATATGTATTGGTAATTGTTTGCTCAGATAGACTGGGTTACAATACTTGGAATGTTGGAATAT  
ACATTCCAACCATTTTTCATTATAGCTTGCTTCAGACTCCATTACATCATTACTGAATTTTTGGTTTTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3601 AJ243759|Pisum sativum mRNA for outer envelope protein OEP37

AATGGCGGACTTTGAATCCTCCGCTCCTCAACCTCCCAACTCCAATTACCTTCTCTCACTTCCCCCTTCCCCCCA  
TCTCTCGATCCTCCTCCTCCTCCTCCAATTCGCCCCCTTTTCCCTTTCTCCAAGAGGCCCCCCATTGAGTCA  
CTTCCGAATTCGACAGTGAATCTTCCATTTTCTTCCACAAGGTCTCATGCAAGCTCCTCGACAACCTCGCCAAGA  
TTAAGTTCTCCTTCCAAAACGACAATAAGGGGCCAATTACTGACTCCCAGTTGCAATTCGTACCAAGTACCTC  
TCCATTCAATTATGATCCTGACGAACACAATGCTCTCCTCCGTTCTTCTATCGATGTTGGCCCTAGGTTGCACTTC  
CGTGCTGCTCATGATATTAAGGGTCAACAAGGAGAGCTTGGTGTGGTTGCTAAAATTGCCGATCCTGGTTACG  
CCTTGGAACCTCTCTTACCTGTTTCTGCCATTGGAGCGCCAAGAGCAACTTTTAAGTTTCCCATGGGTGAAATT  
TCATTGGAAGAAAGAGAAGAGGAGGAAGTGAACCGGGCAATGTCAATAAATGGTGTTCTTAAAGGGCAATT  
TCTGAATGGCAACTGCGTGCTCACTACAAGGATGAAGAATTGGAAGTGAATACAGCTACAAGGATGAGGC  
ACTTTCATTTATTCCAAAAGTTTCTTGGCCATCAAATGCATTGTCATTTGCATTCAAGCGTCGGTTTGGTCCTTCT  
GATAAATTAAGCTATTGGTATGATTTTGATTCTAACGACTGGAGCGCGGTGTACGAGCACACATATGGGAAAG  
ATTTGAAAATAAGCTGGTTACGATACAAGGAGAAACT

>trans\_c\_3602 NM\_180719|Arabidopsis thaliana RHF2A (RING-H2 GROUP F2A); protein binding /  
zinc ion binding (RHF2A) mRNA, complete cds



AAGACTCAATGCAGTGTCCACAAGGTACAAAGAATCGATTTCAAAGAGTACAAGAGGGTGAAGGAGCGGC  
TATTCTCTCGCAACACTTCCATGTCAGAACTTGGTTCTGAAGTTCGAAGAGAAGTAAATGCAGGAATTGCCAG  
TGTATCACGTATGATGCAACGCCTTGAACTAGAGAGGATGGAGTTACAAATCAAGTTCTAATGAGCAGGG  
TGGCCACAATAGAAGAGAGAGCAACCCAGAGAACTCTTTAAACGACAGCAGTGTCTCAACTTCTTGTGCTGCA  
ACATCTGCTGAGCGTTAAATCATTAAATTAATTTTGGCAAAATGCATCTGACATCAGCATCTTATTCTGAAGGT  
GAACTATATAAATATATATTCTCCAGACTTGATATGCTGAGGAACAGATGCCCCTCAGCCTTTGCAACAAAA  
AAGGGTTAAAGAATTTTCATGTGTAGAGAGTAATGTTGATTGTTGTCTGAACTGATAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAACCAATAAGGAAGAAAGAAGAGGGGAGAGGGAATTTGGGAGAAAAGCTTCCCATCTGGACATGT  
TGTATGTAACTTTTTCTTTACATAAAAAAAAAAAAAATACAGTATTTGATGCAAAAACACATGTTAGAAAACTATG  
TCTGGATGGGTTAGTCTTTTGAATTTGAGTTTCTTTGCAATGTTTCATATAAAAAAGTGTCAAACGAACACTCA  
TTTCTTTGATGAGTTTTAATATTCTTTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAGGTATCTTACCATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3603 AF118129|Nicotiana tabacum Tsi1-interacting protein TSIP1 (TSIP1) mRNA,  
complete cds

AGGAATACCAGAGAATTTCTCTGGCGGTTCTGTCTCGAACGAAATCACACAAGAAGAATCCGATTGCTCTCT  
CTTGGCGGTACGTGATTGAGACGAGAAGAAACGGAGAGAAATGTCGAGTTCTGTGTGTTGCAAGTCTGTGAT  
TATGGCGAAATCGATTGACGGCAAAGGATTTCCGTCTACGAGAACAGTATCAATCTGTTCCAGATTTGCTGCG  
ATTCGTGTTTCGCTCATCGATTGAGACTATTTAAGTCTAGGATTTGTGGCGTGCGAGCTTCCATGGTTGATTC  
TTATGGAAGCTCCGATTTCTGCAAGAGGATGGAGCAAGCGTGGGAGATCTCTCAGCAACCAAGGCCTATTTG  
CTGCTCTTCTGTAACCTCAAATGGACATGTTGAGTGCAAATGGTGTAGAGGAACTGGCTTCTTTATTCTTGGAG  
ATAATATGCTTTGTCAAGTTCCTTCCAGAAACACTAGCTGTGTCATTTGTGCCGGCAAGGGATCTATGTGTTGC  
TCTGACTGTAAAGGTACAGGTTACCGGGCCAAATGGCTAGGAGAGCCACCCATCTCTAAATAGCCTCGTTTCT  
CAGCTCAACTATTACAGCCTGTTTTTACCCAAAAGATTATTTTTCTTACTAAAAGGTAAAAAAAAAAATTGCTT  
TGTTACATAGTTTTAATTGTTTTTAGCCTCATGCTGCATTTGGAGGTACAGATGTTGTATTGTTTCAGAAATTTA  
GTAGAAATTTGTGCTGATCAGTAAATTGTTTCATATTGAAATTACATTTGGCTCACTAGACGTGTTTTTCACGATAA  
TGTTAAGGTACTACCTGCAGGAGCCAACCTCAAATTCTATTCTATG

>trans\_c\_3604 AL161585|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 81

AATAAACTAACATTCTCAATTGAAAAGAAAATTTTAAAGGAAAAAAAAAGTGACAATTAAGATTACTCTTGT  
CTTTTCTTGTGATTTTTCTCTCTGTTTCCATGATTCCGATTAAGAATTTCTTGCAGCACCGTCGTATTTTCTTCC  
ACCGGAGATCATCTTCACGGTTGAATCGAAAAATTTGAAGGAGGAGTTTGTATCAGTGACTTTCATTTGAAT  
TTTACGAGATCGATTTTATAATTTTTTTTTCTTTTTCTTCTTGAAATGGAGTCCGTCAATTTCTACGACATAA  
GAACAGAGAAAGCGAACGCGATTCTTAAGTATCGACAGTTTAGGAAAATCGCTAACCTGTTTCGATTCATCGA  
ATTGTGTTTGATTCTCATCGTGATCTCGAGATTTTCCAGTCATTTGCCGACTGCTTTGAAAACTTCACCGAGTA  
TTTCCGATACTTGTCCGTGACATTAATTAGTCCTCGTTTCTGTGTTTTGATCGGAAACGCTATAGTCATCACTCT  
TTTCGCTAAATCTGGACAGTTCTCTGCTAAGGATCCGAGCAAGAAGATTTAGTTGCCGATCTTTACGAGGAG  
TTCATAAAAAACAGCGAGAAGAATAATCAGAAATCTCCACGCGCTGAAATCAATTATCAAATCAAGCATATCG  
ATGAAAGCCGCGGCAAGGCTTCGGTATGTGTGCGAGAAAGTCGTGAATAATCCTGAAGAAACAAAGCGATATC  
AGAGGTGTAAATCGGAGAAAATGGAGTTGTACTGCGGGAGAAGGTGGATCGTGAATTATTGCAGCGATCG  
GAGACGGAGATATGCAAGAAAATGGTGGAAGTGAAGGAAGGA

>trans\_c\_3605 NM\_001084111|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing  
protein (AT1G22700) mRNA, complete cds

AGTG TAGTATCTGCTCCCTCTTCCAAAACCAACCCAAACAAAATTGGAGTCTGGAGGAGCGCATCTGTCTTCA  
ATTTTGAGAACCAACCCAGATTAACAAACTTCAAATTGAGTCCCTAAAATCCCTCAAATGGCTTTACAGACGAG  
TTTGTCACTTCATCGTTACCATCTTTGCTCCTTCTCATTCCCTCCTTCCATTTGGGTCTCTCCAGCTCAAGCCTC  
ACAATCTCCTTCTTCAGGAAATTGTGCATCATTTTGACGTACCAATTTGCGGACTGTTAGAAAGGGATGTAGA  
CTTAATGTTAGGAGGTTTTCTAAACTTCAGGCAGATATTTCAAAGGGAATTGGCAATGGAATCTCAATCATCG  
ACAATGTTTGAGAATTGTGAACCACAAAAAGGCCTAGCATTATTTGTATCTGCTTTCTCATCAGGGCAATCTTT  
ATGGCTAGTTTCTGCTGAAGCAGCATTCGCTGGGGAAGACATGAAAACAAATACAGTTTACGAGATTGGGGA  
GTTATTTGAACTAGGAATACAACTATCTTATCTATTACTATTAGGTCTTCTTGGGGTTGGTACCTTCTTCGT  
CATACGTCAAGTTCTTGTTGTAAGAACTCGATCTTTCTGCTAAAGAACTGCAAGAACAAGTGAGAAGTGGT  
GATGCCAGTGCTATGGAATATTTGAACTTGGTGCAGTTATGCTGAGGAGGAAAGTTTATCCTGCTGCCACTA  
AGTATTTGCTTCAGGCAATTGATAAGTGGGACGGGGATGATCAAGATCTTGCCAGGTGAACAACGCGCTCG  
GGGTTTAGTATGTGCGAGATGATAAGCTTTGACAGGGAATGCC

>trans\_c\_3606 NM\_106407|Arabidopsis thaliana LACS9 (LONG CHAIN ACYL-COA SYNTHETASE 9);  
long-chain-fatty-acid-CoA ligase (LACS9) mRNA, complete cds

ATCAACATCTGTCTCAGTGCTCCAATAGGTCAGGGTTACGGTCTTACTGAACTTGTGCTGGTGGAACATTCTC  
TGAGTTTGATGACTTGACTGTTGGTAGGGTAGGAGCCCCACTTCCTTGCTCATTTGTTAAGTTGATTGATTGGC  
CCGAAGGTGGATACTTAAGTAGTATTTGCCAAGGCCACGGGGAGAAATTGTAATTGGTGGTCCAAATGTTA  
CACTTGGATATTTCAAAAATGAAGAAAAAACTAAAGAATCATACAAGGTTGATGAGAGGGGAACGCGGTGGT  
TCTACACTGGCGACATAGGGCAATTTACGCTGATGGTTGCCTTGAAATCATTGACCGTAAAAAGGATATAGT  
CAAAGTTCAACATGGAGAATATGTTTCTTTGGGGAAGGTAGAAGCTGCACTCAGTGTGAGCCCGTATGTTGAC  
AATATTATGCTACACGCTGATCCATTTCATAGTTTCTGTGTTGCTCTTGTGTGGCCTCTCAACATGCAGTAGAA  
GGATGGGCTTCTAAGCAAGGAATTGACACAAGTGACTTCGCTGAACTCTGTCGTAAAGAAGAAGTAGTAAAG  
GAAGTTCATGCATCACTTATAAAGGAAGCAAAGAAGGCTCGGTTAGAGAAGTTTGAGATCCCTGCAAAAATA  
AAATTGCTATCAAATCCATGGACGCCAGAATCTGGACTGGTTACTGCAGCTCTCAAGCTTAAAAGAGATGTAA  
TTAGAAAGGCCTTCTCCGAAGACCTCTCTAAATTATATGCCTGAAATGATGAGGATGGTGTATGTTCTCTCTACTA  
CTTGAGACTTAGGTTGGTTTGGTTGTCCACATTATTGATTTTCTCTAT

>trans\_c\_3607 AB294714|Hevea brasiliensis HbGGPS mRNA for geranylgeranyl-diphosphate  
synthase, complete cds, note: HbEST\_No.08697

ATGGCAAGTGCTGATTTCCCGCATTACCTTCTCTTCCATCTCCACGTGTTTATCCTTCTCATTCTCTCCATTTCC  
ATAGATTTTAGAGAGAGAACTCAGAATAATGGCCTTCTCACTCATGGCCGCATCCTCTCTTAGTACCTCTTTTG  
GGAGAAAGACCCCTATTCGATGTTCTTCTCTTCTTCTCCTCGCTCTTTCTTCTCAAACCAAATCGCTTCACTTTGA  
CCTAAAAACATACTGGAAACAGCTGATTCTCGAGATCAACCAAAAGCTGGATGAAGCTGTTCTAATTCACTAT  
CCAGAGCAGATCTACGAGGCTATGCGTTACTCCGTCTTGCTCAAGGGGCCAAGCGAGCTCCTCCCGTTATGT  
GTGTCGCCCGCTGCGAGCTCTTCGGCGTCGACCGCCTCGCCGCTTTCCCCACCGCCTGTGCCCTCGAAATGGTT  
CATGAAGCTTCGTTGATCCATGATGACCTTCCTTGCATGGATGATGACCCCTCACGGCGTGGCCAACCCTCAAA  
CCATACAGTTTATGGTGTGACATGGCTATCCTTGCAGGTGATGCACTTTTCCCCCTTGGCTTCCAACATATTGT  
CTCACATACACCTTTGATCTTGTGCCTGAGTCCCGCTGCTCCGTGTGGTTGCCGAGATTGCCGAGCCGTTG  
GTTCCAGAGGCATGGCAGCTGGACAGTTTCTTGACCTTGAGGGAGGCCCAACTCCGTTGAATTTGTCCAAGA  
AAAAAAAATTTGGTGAAATGGCCAGTGCTCTGCAGTGTGTGGAGGACTTCTAGCTGGAACAGAAGACCCTG  
AGATACAGAGACTAAGAAGATACGGAAGAGCGGTCTGGG

>trans\_c\_3608 XM\_002303969|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

CCGCATTCAAACAAAAAATATCAAACCTTTTTCTTTTCATCTCACAATGGAAAACCTCGAATCCAAGTTCACC  
GAGTTCATTCCGGGTCTTCTCTGAAGAACTCAGTCTCGATTGCATCACTCGTTTGCCTTACACAACTCACCGACTT  
GCCTCCGCCGTCTGCCGCCGTTGGCATCAACTCATCTCCAGTCCCATTCTATTACCACCGTCGAAAATCCGG  
TGCCACTACTCTTCTCGCTTGCTTCATTCAAGCTCTTCCCCAGCTTTCTCCACCACAGGATGGAAGCTCTGTAC  
TTCACTCGCTTACGGACTCACCGTTTTCGACTCACTGAGTCAATCCTGGGACCGAATCCCTCCGATTCCACAATA  
CCCAGATGGTCTTCTCTCTTCTGTACATAGCTAGTACCGAAGGAAAACTCGTGCTCATGGGCGGCTGGGAT  
CCCGCAACTTACGATCCGATTGTTGATGTTTTCGTTTACGATTTACCCACGGTGCCTGGAGGAAGGGGAAAG  
ATATGCCGTCTAAGCGATCCTTTTTTTGCAATTGGGGCTTCCGATGGACGAGTCTACATCTCCGGTGGCCACCA  
CGAGAGCAAAAACACCTTGAAATCGGCATGGGTTTACGATCTCAGAACCGACGAGTGGACTGAGTTGCCCCA  
AATGAGTCAGGGAAGAGACGAGTGCGAAGGTCTGATGGTCGGCCGCGAATTCTGGGTTGTTAGCGGCTACG  
ACACCGAACGACAAGGGATGTTGACGCCAGCGCCGAAGTTTATGACCTCGATTCCGGGGAGTGGCGAGTTG  
TGGATCAGGCATGGGAAGAAGGCCGGGTGCCACGGGCATGCGTC

>trans\_c\_3609 NM\_120525|Arabidopsis thaliana BTR1L (BINDING TO TOMV RNA 1L (LONG FORM));  
nucleic acid binding / single-stranded RNA binding (BTR1L) mRNA, complete cds

AACTATATGGCGTCCACCGATAGACTGGTGACACTGTCTGGAACCATAGAGAAACAGATGCGAGCTACTGAC  
TTAATTGTCTCAAAGCTATCTGAAGACCCACACTACACTCAATCAATGAATTATCCATTTTCATATCCGACTTCG  
TACAATGCTATGAACTATGGATCCAATGGAGGTACTGGAGGGAGGTTTCAAAACAACAAGGAGGAACGGAA  
CAACTCCTTGACTATTGGGGTTTCAGATGGCCACATCGGATTAGTTGTTGGTCGTGGTGGAAGAAACATACTG  
GAAATTAGTCAGGCTAGTGGAGCCAGAATTAAGATATCTGATAGGGGCGATTTTCATGTCCGGAACCACTGAC  
AGGAAAGTAACAATTACGGGGTCACAGAGGGCAATCCGTGCTGCTGAATCGATGATTCTACAAAAGTAGCA  
TATGCTTCTGAGAGGGTTCTAGCACAGTGATAGAATGTGCAAAGATCTGAATGTTTGTAGTAGAAGCAAGGC  
CGGGAGATTTTCATTTTTATTATTGAGGGAGAGAACATGTGGAGATGGCAATGGGCGGAGATATATAATTGA  
AATTATTTTCATGAAGCATGAAGAGATATATTTGATGATGCCATCAAATTTGATTGAGCCAAATAGAAAGATTA  
GCAGTTTCAAATTTGTTTATACAATTGTAGCGCCCTTGAATTTATTTTCATATTTATGTTTGAGCTTTTGTCTTCT  
ATTAAATTGTTTGAACATGCCTTCTTNCAGAACAGATTGTAGCTTTTTAGGATGTCCTTATTTTGACGATT  
ATTGGTGAATTCTTTAGTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3610 AB359913|Solanum lycopersicum LeGAD1 mRNA for glutamate decarboxylase  
isoform1, complete cds

TTGGTTCATATCTCAAATTTCTCTGTCTCTTTAATCTGTATCTTTTCTTTGTTTACTGAAAAAGGGCATCACCA  
AGATATGGTTTTGACGACAGTTGCAGACTCTGGAGATTCTGTGAACTGCACTTTTGGTTCCAGATATCTCCGCT  
CTCCTCCTCCCAAGTTCAAACCTGGGAGAGCAATCTATTCAAAGGATGCAGCATATCAGATCATACACGATGA  
ATTGATGCTTGATGGAACCTCCAGACTGAACTTGGCTTCTTTGTTACTACTTGGATGGAACCAGAGTGTGACA  
ATCTCATCATGGCTTCTCTCAACAAGAACTATGTTGACATGGATGAGTACCCTGTCACTACTGAGCTACAGAAT  
CGCTGTGTCAATATGATTGCTCGCCTCTTTTCATGCTCCCATCGGAGATCAAGAAGCTGCAGTTGGTGTGCGAA  
CTGTGGGATCATCAGAGGCTATAATGCTGGCGGGTCTTGCTTTTAAAGGAAATGGCAACAAAGAAGAAAGT  
CTCAAGGCAAACCCTATGATAAACCTAATATAGTCACTGGTGCTAATGTTTCAGGTGTGCTGGGAGAAGTTTGC  
AAGGTACTTTGAGGTTGAGCTAAAGGAGGTGAAGCTTTCTGAAGGGTTTTATGTGATGGATCCAGTGAAGGC  
TGTTGAACTTGTTGATGAGAATACTATTTGTGTTGCAGCAATTTTGGGATCCACTCTGACTGGAGAGTTTGAG  
GATGTAAACCTCTTAATGAACTTCTTTCTAAGAAGAATAAGGAAACTGGTTGGGATACCCCAATTCATGTTGA  
TGCAGCTAGTGGAGGCTTTATTGCTCCATTCCTTTATCCTGATCT

>trans\_c\_3611 Y11607|M.sativa mRNA for protein phosphatase 2C

AAAACCCCTAATTTAAAATTCTTCCAAATTGGAACGACAAATCGATACTTGAAGAAAAATTCTTACCTGGGTTTT  
GATTCTCCTGAGTTCTTGAATTTGGGTTTTCTTTACAAGCTTTTAATATGTCTATCTCTGTTGCGGTTTCCAA  
TTCCCCGGGATTTTCCCTTCATCCTCCATGTTCTGCAACAAGACCTCGATCATTTCTCCGGCGCCGGAGGCGTT  
GACGCTCACTTTAGCTCATTTGAAGTCATCGCAGGCTTCTCCTCTTGCTCTTCATCTCCTTCTCTCCTTCTTCCC  
CTTTCCGCAATTCGGTTTCCGAAGCCCCCTTCTGGGCTTTCGGCAGCGGCCAGCGGTGGCGCTCGCTTCAACT  
TCTTCTCCTTCGTCATCGTCGTCGAGCGCGATCTTGAAAAGGAAGAGACCCGCTAGGTTGGATATTCCGTTGA  
CACCTTTGAGTTTTGGCGCTCCGGTGATGCCTTCGCCATCCTCGTTTAGGGAGGTGGTGGAAGCCGAGAGAG  
ATGGGTATTCTGTGATTGTAAGAGAGGTAGGAGGAGAATTGCTATGGAAGATCGGTATTCTGCTGCTGTTG  
ATATTAATGGAAATCTAAAGAGGCGTTTTTGGTGTATTTGATGGACATGGAGGTGTAAAGGCAGCTGAATT  
TGCAGCAAATAACTTAGAGAAGAATGTTTTGAATGAAATTGAGAGAATGGGTGATAATGAACTGATTTTGA  
ACAAGCTATTAAACATGGCTACCTACCCACAGATTCTGATTTCTCAAGGAGGATCAACGTGGTGGTCTTGTGTT  
GTGTAACGGCCCTTATCAAAAAGGCAACCTTGTTATTTC

>trans\_c\_3612 AC002986|Arabidopsis thaliana chromosome 1 YAC YUP8H12R sequence, complete  
sequence

ATTGTTATTACCAGCCTGTGTCGTAAAGGAAACACATATCCAGCATTCCAGCTTCTCTATGAAATGACAAAGTA  
TGGGTTTACACCCGATTCTTTTACCTATTCTGCTTTGATCCGAGGGTTATGCATGGAGGGTATGTTGAATGAAG  
CAATTGAAATATTCAGTGTAATGGAGGAAAAATAACAAGCCTGATACTGAGAATTACAATTCATCTATTCTGGT  
TGCTGCAAATCTCGAAGAACCGATTTGGCCTTGACGTTTTCGAAATAATGGTTGATAAGGGTTATCTGCCCA  
ATGAAACGACATACACCATCCTTGTAAGAAGGTATCATCCATGAAAAAGAGATGGATCTAGCAACCAAAGTACT  
GAGAGAGCTGCAACTGAGGGATGTTATAAGTCAAAGAACATTGGAAAGACTTGTAATGCAGTATGACCTAAA  
TGAGTTGCCACTGTGATAATTTCACTTGACTTGCTACCAGCAATTGGAAACCTGGCAGACAGTTCATCTTGAAG  
ATCAAGTAATTGCTATTATGACGAAAAGAAAAAATTTAAAAAGAAAAGGGTACTTCCACGTATTTTGTTTGATC  
TTATTACTTTGTCTGACAACTGAAAGCTTGTAATCTGACAAGAGGGTGCTGTGTTTTTAGTTGCATTATTTAC  
AACTGAGTACATGTTTTTAGTTCACTAGGCTTCTTATATGTACATAAAATTACTCCATCCAGTTCCTTATTGAGT  
TTTTTGGCCATCTGTGGCCAATTTCACTTACAAAAGTTTTGGTAGTTGAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3613 AB243014|Codonopsis lanceolata mRNA for fructose-bisphosphate aldolase,  
complete cds

TTGCCGATCCCTCTCTGCATTTTCCCCAAAGACCCCATTTTCTCTCTTACTTTTTTCTCTCTTCCAAATGTCT  
TGCTACAGAGGCAAATACGCTGATGAGCTTATTGCCAATGCTGCCTACATTGGAACCTCTGGGAAGGGTATTC  
TTGCTGCTGATGAATCGACTGGCACTATTGGAAAGCGTCTTTCAGCATCAATGTTGAGAACGTTGAAACAAA  
CAGACGTGCTCTTCGTGAGCTCCTTTCACTGCTCCTAATGTTCTTCAATACCTCAGTGGGGTCATTCTCTTCGA  
GGAAACACTCTACCAGAAGACAGCTGCAGGCAAGCCTTTCGTCGATGTTTTGAAGGAAGGTGGGGTCTCCCT  
GGCATTAAAGTTGACAAGGGTACTGTTGAACTTGCTGGAAGTATGGCGAAACCACAACCCAGGGTCTTGAT  
GGCCTTGCCAGCGCTGCCAAAAGTACTATGAAGCTGGTGCTGTTTTGCCAAATGGCGTGCAAGTCTCAAGA  
TTGGTCCTAACGAACCCTCACAGTTGTCCATTAATGAAAATGCCAATGGATTGGCCAGGTATGCTATCATTTGT  
CAGGAGAAATGGTCTTGACCTATTGTTGAGCCTGAGATCTTGGTTGATGGTCCTCATGACATCAAGAAGTGTG  
CTGACGTAAGTGAACGTGTTCTTGCTGCCTGCTACAAAGCTCTAAATGACCACCACGTTCTCCTTGAAGGAACC  
TTGTTGAAGCCCAACATGGTTACCCCTGGATCTCAATCTGCAAAGGTTGCACCAGAAGTGATTGCCGAGCACA  
CCGTCTTTGCCTACAGAGAACTGTTCTGCTGCAGTTCCGGC

>trans\_c\_3614 NM\_001052391|Oryza sativa Japonica Group Os02g0141000 (Os02g0141000)  
mRNA, complete cds

TTTCTTGTAGAACTATAAGCAATTTGAGTGGGAAATGGATTGAGCATCTCTGGCTGCTCGCGCGTCTCTTCAT  
CCGCAGCAGAATCTTCACTCTGTCTTCGTCTACGGCTCTCTCATGGCTGATGAAGTTCTTCGTATCCTCTTGAAG  
CGTACTCCTCAATCTTCTGATGCCGTTCTCAATGGCTACCAAAGACTGAGTGTTAAAGGACGTCTTTATCCAGC  
GATCATACCTGTTACAAGCAAGAAAGTATCTGGGAAGATTATTTAGGGATCAAAGACTCTGAAATGCATCTC  
TTAGACGCATATGAGGATTTTGAATACAAGAGGATTACAGTTGAGGTCTCTTTAATGGATAGTTTGAGAGAAGC  
TATTAGTTTATGCTTATGTTTGGGGCAACGAAAAGGATCCAACTTGTATGGAGACTGGGATTTTGAGGAGTG  
GAGGCGAGATCATCTGGAAGCATACATTGAGATGGTCAAGGAATTTATGGAAGAGTATGAGCAGCACCCCG  
GACCCTAAAATTTTATGGTCTCCAATGGAGAAGGATAGGCGATGCTAAGAACTAGCTCTCCAATCTACAGGAG  
AAGAACCTTCGAAAATAAAGGGAGAGTAACCCGTTGCATCTTTGTACCTTTGTTGAATCTGGGGGATCAACCA  
ATAACCCGTACGATAAGGTCAGTCAGTTGTTAAGGATTCATTGAAAATTTGTGTCATCCGATAACTTTGTAATA  
TAACAATCTATTTATTCACCTTGACTACTTATTGAGTCTAGGCCAAAATATATTATTACCACTTGGCAGCACTTCC  
GTTTGCATTTAAAATAAGATACATTAATCTATAAAGTTGTCAAAA

>trans\_c\_3615 NM\_101527|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G16670) mRNA,  
complete cds

CTGATTTTGGTCTTGCTAGACTACTCCCTGCTCACTGACTCATGTTAGTACACGTGTTGCCGGGACAGTAGGT  
TATCTTGCACCTGAATTTGCCATACGGGGGCAAGCGACAAGAAGAACAGATATTTATAGTTTTGGTGTCTTACT  
TTTGGAGATTGTTTGTGGGAGGTACAACATAAATAGACGGTTACCTGCTGAAGAACCGTATCTTCTTGAAATG  
GTGTGGGAGCATCATGAGAAAGGGCAATTGTTGGAATTGGTAGACATATCATTACGTGAAGACTTTGTGACG  
GAGCAGGCCTGTAGATACTTAAAAATCGGTCTTCTCTGCACCCAAGATATGCCAAAACCTCCGGCCATCTATGG  
CTACTGTTGTCAAGATGCTAACAGGTGAAATTGATATATCTGATCAAACAATATCCAGACCAGGAATGCTTTCA  
GAGTTCATGCTTCGAAAAGATGTACTAGGCAAGAAAGGCGAGTCAACAGCTGAAAACCTCTTCATCATCAGGA  
CACATGGACACCTCATATGCTACGATAACCTTCGATTCAATATTTGATCGTAGTAACTGAGTTAGAAATTATTT  
GTTGGTTAGCAAGCCTTCTAATTAAGGGAGGTATATATTTATTTTTTGTCTATCATGAGTACATGAAGTCTAT  
TCTACTATGGCACTTTTTCCACTTTTCATGTGTGCGGTATCTAACCTTGTCAATTGTAGGAATTTTTAGTGATGAATTT  
TCATTGAAAATCACATGACGTGTTGTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3616 BT006553|Arabidopsis thaliana At4g39880 gene, complete cds

TCTACGACCGCTATTATCTCAGCACAAGACCTAACAAATCCCAGCACTGCACCTCGCCGTTCCGGTCCCAAATCCC  
TTCAGTTCGTTGAAAGCTTGCAAGTACAAATCTACTATTCTCAGGTTTCATTCCATTGTGAACCTCCCGTGTTTC  
AAGTAACTGTTTAGATCTTGGTTTCTTGTCTTGTGGGTTTGATTTGATGTTGTTTCAAGCAGATTGGAGTTAG  
AATTTGTAATTGGGTTTTCAAAGGATCTGTTTCATCGACTGTTTCATTGACGCGGAAGCCAAGAAATCCAGGAA  
CATGGGAAGCAGACTCGGGAGAAGAGTTGTTCACTTCGCAATCTTCCAATCAAGCTTCTTATGCCTACCTCCT  
TCACCAACATCACTGAAATTGCTCTTAAACCATTCTTCTGCTTCTAAAATTGAAATCAAGCGCGTCCTTGAGA  
GCCTTTACGGCTTTTCAGGTCGATAAAGTTTCAACTCTTAACATGGAGGGGAAGAAAAAGAAGCGTGGAGGGA  
TTTTGATCGCAAAGCCTGATTACAAGAAGGCCTATGTTACTCTCAGAAATCCTTTGTCAATCTCTCAGGACATG  
TACCCGATCCGCATTATAGAGGAGGATAAGAGGAATATGAACAAACAGTCTAAGTCCAGCATTGTTGAGGAG  
GGCGAGGCAAAGAGGCATTGGCTGCATGAGAAAGAGCCTGTGGGAATCAAACTTACAAGGGTTTTGCTGA  
TAGAGGCCCGCCGACGAATTGGCGGCGGCGCTGAAACGTTGAGCCATCAACTAAGTTTCCTTGGAGTAGCAT  
GAGGTCTGGTAGGTAGTGGTAGTGTGAAGAAACGTATCTCAGTTAC

>trans\_c\_3617 NM\_125863|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L15 family protein (AT5G64670)  
mRNA, complete cds

AACACCCCTACTCCCAACTCCACTTTCTCCGTCTTCCTTCCACCCTCTCTTTAGCCGCACAGTCACTCCATTTCTTC  
TTCTTTTTCCTTCCACCAGCGCCTTTTGTGAGCTTCGCATCATACGACCCGTCTTCGACAGCCGCTCTCGGTCT  
ACGGTGCCAACTCCGCTTACAGCAACTACACTCCGACGAGCAGCTTTAATTGGCCGCCTCCACCATCACTAAC  
ACTAACTGGCTGAATACCGATTTTCTGCAGCCACCCTTCTCCATCGACATCGATTCCGGTTGCTCTTACTTCCC  
AGGGATCGCATTTTTTATTTTAACTCCATCACGTTCTGCAAAGATTGAGTCCTTTTGCAATTATTCAGTCTC  
TATCCTGGATTTGCTTGCGGAACATAGGCAACTGGTGCATTTTATAATTTGAACCGAAAAAGGAAAAGGAAAT  
GCTACGAAGACAACACTGTGTACTTATTATCTAGCTCACTTGCCTCTGTTTCGTAATAAACCCCCACCTGCTATTGT  
AATAAACCAAGCATTATTGCATCCATTCTTAGAGTTCAGCAAAACCCTGCCTTGATCGGTGTGTAGGTTCCC  
CTCTTTCTGGAAATATCTTTGGTTTTCTGAGCTTTCAGCCTTTTGAGCTTAAATGATCTGAGAGACAAAGTTCCAA  
GGAAACAGAAGACAAGAAAGGGTCGTGGTATTGGTTCTGGGAAGGGGAAAACTGCTGGAAGAGGTACAA  
GGGCCAAAGAGCAAGAGGTTCTGGAAAGCTCGGGTTTGAAGGTGGTCAAATCCCACTGCGCCGCAGGCTTCC  
CTAAAGAGGGGTAAAAATCCTTTCAGCCTCACGTTT

>trans\_c\_3618 NM\_001050437 | *Oryza sativa* Japonica Group Os01g0686000 (Os01g0686000)  
mRNA, partial cds

ATCCACCATTTTTCTACATTTCTTCAACAATAATTTTGCCTTTTTCTAATTCATGGGGAATTACATTTCTTGTAT  
TCTCTCCACACCAATCGGTGTCAAACCTCCTCTTCTTCCACCACCACCGTCATCTTCCCAGCGGCCAAATCCG  
ACACTTTCACGAGTCGGTCAAGGCGGCCGAGCTCATGTTGAGATCCCCAATTTCTTCTTGTTAATTCTCAAT  
CCCTTCATTTGGGTCTGAGATTTTTCGGCTTTGATGGCCGATGAGGATCTCGAGATGGGTAATTTGTACCTTATG  
TTTCCCATGAAGAAGTCAATTCGGTGGTGTCTGGTGGCGGACATGGGGGCTTTGTTTCTCGCTGCCGAGCGG  
GTCTCCGGCAGGAATAAGCGGCGGATTATCGGCGGTGGGGATTCTACTGTTTGTGTTTGGCCAGAGGTGGAA  
ACAGAGGAATCGAAACCGAAGTTGAATTTGGATGGTAGTGGTGGTAGTGATGAGGATGACGACGACGTGGA  
GGGGTTTTCGCCGTCCCGGAATTTGGTCATCGGAGGTCGATGTGTAGGTCGAGGAAGCCATTGTTGGAGAC  
TATAGCTGAAGAGCCTGTATGTTGAGATGATGGGAAATTGGGGGAAAATTTAAAAGCTATTTGATTTGTTCT  
TTGTTTCTATTGGGGATTTTCTTTTCGAAATTAGTGAAAGGGAAAACCCATTTGTTGATTAATTTGTACTATGG  
GAAAATTAGTTGATATTAGGCTTTTGAAATCTTTCACGTGTTCAAAGAACGTGAAAATATTTGTGTAATTATGT  
ACAATATTTTCGTAAATTTTTTCACTCGCGTGATAAACTAAACA

>trans\_c\_3619

CAAGTTAAGTCAAAATCACTCAAACATCTTGAACTTTTTTTCTTGACATTCATGCGGTCAAGTCAAAATTTGCA  
TCCAAAAGATGTAGAACTTCACCGAGTGCCGATACTTTAAAATCTGGCTCGAGATCCAATTCGTGAAATGCTC  
CGAGTTGTACCTTCTGTTTGATCTAGCAAACAAGTGAAAGCTCCGGCTCCCTTGCCACATCCAACATCATCTC  
GGAGGCTGTGCGCGATCATGATTACTTCATTAGGGAGGACATCCCAAGAAGAGCAGATATGAAGTAGGGGA  
GCCGGATTAGGTTTATAAGAACCAAATTCCCTGCTTAAGGCTGGTTGAAATGTCCAACCAAACGCTCGTGAA  
AAATATCAACAGCTTCCTTTACATTGCGAGTAATTAGTCCCCTCCTTATTCTTGAATCAAGAAAGGTACAAAG  
CTCAGCAGCACCGGGCATAATTTGGAGGCGATCAATCCCCTGACGCTCAAATCGGCGATTACCTCATACGCC  
CTCCGCTGCTTCTCAGGAGCCCAGCTCTGAATAATGTGCAAAATATCGATGCCGATGGATTGAGAGCTTTAA  
TTCTGACATACTCCTCATCGCCAAGCACCGATTGATACATAGCGGCAAAATCGATGACAGGTACAGTTAGGGT  
TCCGTCCATGTGCAAGACGACTCCCCGAGACGGCGGCGGGAGGCGGAGACGGCGGAGGAGGAGGAATTA  
AGCATGGGAAATGAACGGTGGGGAAGATGGAATCTGGGGGATAGCGTTGTGTGAGTGTGAATTGGAGCCCCG  
GAATTTGAACCATCCCCGTGAGGTTGATGTTGATAATAATCTCATAATTCCC

>trans\_c\_3620 NM\_115281 | *Arabidopsis thaliana* ribosomal protein L17 family protein (AT3G54210)  
mRNA, complete cds

TCCCAGACGACCTAACTATTTCTTATCTGTTATCCATACACGGACACCCAAACAATGGCAATGGCGATTACAA  
CGGCAACAGCAAATGGCCGATGGAGCTTTACAACGTTGAGGTCAGCGCTGCCTTCAGTGGGATCGGAAAATT  
GTACTCGCACTCGCGTTAGCTTCCCGTTGTCCAATGCTCGAGTCAGTCGCAGAACCTGCAGCAAACCAATCGCC  
TCCTTTTCGGGTCTATGCCCTTAAACCCCTTATTTCTACTGGATCAGCAGATTACAACGACTTTGAACATAAC  
TTCAAATTTGTTGATAATGGTAGCCGAGTTTTTGCCATGAGACATGGCAAGCGGGTACCTAAGCTAAATAGGC  
CTCCTGACCAACGACGTGCACTATTGCGAGGGCTCACCACCCAACTCCTTAAGCATGGTTCGGATCAAAACCAC  
CAGAACAAGAGCAAGTGCTATGCGTAAGTATGTTGACAAAATGATTACATTAGCAAAGGATGGTTCCTTGCA  
AAAAGGAGACAAGCTTTAGGCTTCATCTACGAAAAGCAGATTGTTTCATGCATTATTTGCAGAAGTCCAAGATA  
GGTATGGGGAGAGAAACGGTGGATATACCAGAATTATAAGAACTCTGCCTAGGCGAGGGGACAATGCGCCT  
ATGGCATACATTGAACTTGTCTGAATATTGGCCAGTTATTTTGTATCGGCGGAGTCAACCAATTCTAGTAACG  
GAATGAAGATTTAATCCTTTCTAGAGTCTGCCTCATGTATGATTATAAACCTTGTATTAATATTTGCATACATA  
TACATACATGATTGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3621 XM\_002884599|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata carboxyl terminus of hsc70-  
interacting protein (ATCHIP), mRNA

ACAAGAAACTCTTTCTTCTTTTTCTTCTTCGCTTCCTCATTTCATAATTAATCATCTAAAATTACATTTCT  
ACAAAGTTCTATATGTTCTGTATCTGTGGAACCAAAGAAAACCCGATTTACATTAACCACAGCTTTGATTTCT  
TGATTGGTTATGGGGCCAGGAGTCCCTTGTCTGGCGCTGCAAAACAGGCTGAGATTCTCAGGAAAGATGGG  
AACCACTATTTTCAAAGGGTGAATTGGAGCTGCCATTGAAGCTTATACCGAGGCGGATTACTCTATGCCCCA  
ATGTTCTGTGTACTTGACGAACCGTGCTTTGTGTTCATCGCAAGCGGAATGATTGGAAGAAGGTGGAGGAGG  
ATTGTCGGAGAGCTATTCAGCTTGATAACAGTTCTGTAAAGGCACATTACATGTTAGGATTAGCGTTATTACAA  
AATAAAGAATATCCGGAAGGAATCAAACATTTGGAGAAGGCTTTGGATCTTGGTAGGGGTGAAAATCCAAAG  
AGTTATATAGTAGAGGAGATATGGCAGGAACCTTGCTAAAGCAAATACAGGGAGTGGGAACAAGCATCCACC  
GAACGTTTCATGGGAATTGCAGACATTGAAAGAAGCTTGTGAGGCTGCACTTGAACAAAAATATTTTCTTGACC  
AATCTGAACTAGAAGGGTTCGTAGATGAAGCTGAAATTGCTCATCGGAAACAATTAATCGCTAAGAAGTG  
TGTTTGAAAAAGTTGCTGAGGCAGATTCGCCATCAGAGGTACCTGATTATCTTTGTTGTAAATCACACTCGAT  
ATTCTTCGCGANTCTGGTATTACTCCAGCGGGGTACATACGAGAG

>trans\_c\_3622 EU862549|Nicotiana benthamiana isolate Z3.04 PB1 domain-containing protein  
mRNA, partial cds

GTTTCAGTTAAAAAAAAAACTCTCATTATCATTAAATGGTTACCGAACCTAAAACCTCCTCCTCCTCTTTCT  
CAATTTCTCTATTCTCTCTTTCAATTCCTTTCTCTAATGGATAACTATTCCTACTCCTCCTATCCCGATTCTCG  
CGACTCCTCTCCTCGTTCTGCGAAAACCTTCTTGGGACGACCCCTTACCAATCTCAACCCACCCACCACAG  
CTACAGAGTCAAATTCATGTGTAGCTATGGCGGCAAGATACAACCCAGAGCTCACGACAATCAACTTACTTAC  
ACCGGCGGCGACACCAAGATTCTCGCCGTCGATCGTACTATCACTTTCTCTGCTCTTTCTTCCAGGTTATCTTCT  
CTCTGCTGCGACGTTACTGTTTGTTTTAAGTACCAACTTCTGGCGAAGATCTCGATGCTTTGATATCTGTTACC  
AACGACGAAGATCTTGAGCACATGATGTTGGAGTATGACCGGTTGTATCGTGTCTGAAGCCTGCGAGGTTAC  
GGCTTTTTCTCTTCTTTAAACCCACCTGTTGTCCCGACGATTCTTGCCTCCCAGGACCCCAAATCGGACAGGC  
AATGGTTTCGTCGATGCGTTGAATTCTGTGCGGATTGAGCCTCTGGAAGATTCTTCTCCCCGCTGTTGATCCT  
CCTGGATCTGCCTCGAATCCTGATTTCTTGTGTTGGATTTGATAAAGGTTACCATCCAACCTCCGTTCCAGGTTCT  
AACTTAACGATTTACCCACCTCGAACCCGCTGTGAAGGACGTTTCCGCTGGGTCTGATTGTGGATCTGAAG  
ATCGTCACTTAGTCGGAGAACCTGCTGTTTC

>trans\_c\_3623 NM\_001063722|Oryza sativa Japonica Group Os06g0224200 (Os06g0224200)  
mRNA, complete cds

TATGTGGACATCCTGTTGGAGCAATGGAAAGAAGGAAACTGTTGCGGGGACTTCAAATATGTTATTGGAGGGG  
CCACCTACTCACTTTCAGCTATTCAAAACGGAATTTTGAGGGGGCAATCAGAGACCACCTTACAATCTCATGAAA  
CCATTTGGTGCAAGAGATAAACGTTCCAAAGTTTCTCTCCATATGTGGAGCCTTTAATTCATTTGCACTAGTT  
TGTGGTACCCGATCTGGGCCGCCCTTCGATGCTATTCTCCAGGCAATATAGATCAGGAGTTGGTGGAAGCAG  
CACGAAGTTTCTTAAGAGAAGGAGGACTTGTCTATGGATTGAATAACAATGGTGCATCAGTTAATATGATTCT  
TAAATGGTTTAGCATGGACTTCGGTAAGAACGAGCAAGAAGTCATGAAGCATGCTTCAAACCTTAAAACCA  
GATGATTCTCAAGCATTGCTTGAATTACTTGCCAGTTCGGAATTGAAGGTATTATATCAACCATATGATTGGGG  
TTTGAAGTGTAAACATTGCTGGCTCCATATAATTGGAAAAATGCTGCTTTTGTCAAACAAACAAACCTAAGGTA  
TGAATATTGGATGTAAGTATGGCCAAAAGTCACATGAGTCTATGTAGGGGAGATAGAAGTATATTGTTTTAAA  
GCCAACTTATTTCTTTTGAGTACCTTAGAGCCATATATATTGGAGTCTTTTCATAATTGTTTACTATGTAATTG  
TGGTCAGAGTGTAGTGTGTGCATATTGTATCGAAAGAAATATGATACAAACCCGTATACAAAGGATTGCTTGT  
TTATTGAGCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3624 U16244|Kalanchoe daigremontiana V-type H<sup>+</sup>-ATPase 16 kDa subunit mRNA,  
complete cds

TGTGGAGGAAGAGAGAGATTGAGAGCGGTTCCGTTCAACCCAGAAAAGATGTCGTCCACCTTCAGCGGCGAT  
GAAACGGCACCCTTTTCGGCTTCCTAGGCGCCGCTGCAGCTCTCGTCTTCTCCTGTATGGGAGCTGCTTATGG  
AACTGCGAAGAGCGGGGTGGGAGTTGCGTCTATGGGAGTAATGAGGCCTGAACTTGTGATGAAGTCAATTGT  
TCCGGTGGTTATGGCTGGAGTTTTGGGTATTTATGGTCTTATTATTGCTGTGATTATTAGTACAGGGATTAACC  
CTAAGGCCAAATCTTATTACCTCTTCGATGGTTACGCACATCTCTCCTCTGGGCTTGCTTGTGGACTTGCCGGTC  
TGTCCGCTGGCATGGCTATCGGGATCGTTGGTGATACTGGTGTAGAGCCAATGCACAGCAGCCTAAGCTTTT  
CGTAGGGATGATTCTTATTTTAATTTTTGCCGAAGCTTTGGCACTCTATGGACTTATTGTGGGCATCATTCTCTC  
TTCCCGAGCTGGTCAGTCAAGAGCCGATTAAGTGGATGCTGTATGTGGACTCGAGTTTGTGTAGTATATGTCT  
CTTCTTTTGTTTTTGGTCAAGAATTGGTTTTGTACTCTTTAAGTAAATGGGTTATTATTATGGTTTAAGCCTAC  
TGTCAAATGTCTTGTGAGGTGTGATTGCTAATACCACACGAATCCTATAGTTGTTATATATGGATTTGGAATTA  
ATTATTCTTCTCAATAAAATATTAAATTCTATTACTTTTAACATTACTCCAATTTAATGAAGCTTCCCTCCCTCTA  
AGTCTGGGTGTTTGAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3625 Novel Gene

ATCTTCCGTCCGTCCTGAGATTATCTCCTTCTCTTTAACTTTAATTTCCGATTTGTTTTGATTTTCATTGTCTTCT  
CCTTCAATAGAAGCGAAATGCGTTTGATATCTTGAATCGTTTATTTTCTCTCTTTAAAAATTTTCGATGAAATG  
GGTTGGTTATTCTGAATTGGCTCTATCATCGAGTCAGCAGCAGGCGCCGTTTAAATGGCGATCCGTCTGCCGC  
ATGGAGCCGATATTTTGTACCGGAGGAAGATCCTTGAACTTAATAGTTTAAAGATACAATGCCCGGTGCGAC  
ATTTTTTAAATTTCTAATCCCATTATCTGCAATTAGGTCTTTGTAGGGTTTTGAATTAGAGTTTGAATTGGCA  
TTAAATCAGACACGGGTGTTTGTTCAATTAATCTTACAACAAACAACCTTTGCACGGTGCCTATATTGAGCTA  
CTGAACACGATTGGGGGAATCTATTATTGTTTTATATGGTATCCTTCAAATTTCAAGCAGCGAAATTCTGAATT  
CTTAGTAAATATGTTTTTGGTTTACATAAGCTGATTTGCAATAGGGTTTTTGGTTTTTGGTTAGAATGTATTCA  
AACATTTAATAAGAAACCTTATCCTCTAATCTGCTAGAATCATTTGCTTGAACCTATCTAACTCTGTGTTTGTGTT  
TGTGTAGTCTCAGAAAACGCTTTTTCATTTGTTGGAACAATCCGGATGAGAGACTAATCGTGGGTTTCTTGCCT  
ATCATCCGTCACGGTTGGCATAGGGATAATTCGTTTTCGTTATCACTGTTTCTTAATGTTTGATTTCAATTTGGGC  
AAGAAAAAAGTGTGATGGTTTAAGAGTTCTG

>trans\_c\_3626 BT022014|Arabidopsis thaliana At3g56430 gene, complete cds



ATCTGCGTCCAGTTCTTCTTGGACCGAACTCAAGAACTCGTTCACTACAACTCTCCTTCAAATGCTCGTTGCCT  
GACTCTCTCTACGAATTCTCATGCTTTCCAAAATCTCAAACCTTCTCAAAGGGTTCTTGAGGGTCTTCTTACCC  
TCAGGCTCAGACTTCATTTCACTCATCATCCGATCACCTACTCCAATGCCAATCCTCTTCGAGATCCGTTTCATCG  
CAAATTCCTTCTCTTCAGCTCCCTCTTCCAGTCGAAATCCCTTCCAAACCCATCTCTTACGATGTTGGTTTGT  
CCAATTCCTCTATTCTCCCAAGCTAACAGCTGGAAATCTTCTCTAGTTACTAAATTGAATGCCCATCGCTCTGC  
TTCTAGGTTTAGATTCTTCTCTGTTAAGATTCTCGATTGGGGGTCAGATCAATGGTAATTCGCTAAGAAGG  
TTATTGATAAGCCTGCTGCGGCTGTTAGTTCTGCATTTTCGAGGTATCGGGAAGCCGTCGGGTTGCAGATTGA  
GGCTTTCTTCAAGAGAAATTATCTTGTTCTATTGGGGTTTGGAGCAGCTTAATTTGTGCATTGCTTTGGAGGA  
TTATGTTCCGGTATTGCCAACACCTTTGTTGGGCTCTCTGAAGGCATGGCTAAGTATGGATTTCTCGCTTTATCTT  
CAGCTATCGTTGCTTTTACTGGCCTCTATTTACGCTCGAGATTCACAGTCAATCCTGATAGAGTTTATAGAATG  
GCCATGAGAAAGCTCAATACGTCAGCAGGAATTCTTGAGGTTATGGGTGCCCTCTTACAGGATCAGACTTGA  
GAGCTTATGTTATGTCAGGGAGTGGGTTCACTC

>trans\_c\_3627 Novel Gene

GGCAGTAAAGAAAGGAAAAAAGAAAAAAGAACAAAAAACTCACATCTCGTCCTCCAACCTCCTTTCGCGC  
CTCTCTAATCCGGTGACGCTCTGACGACATCACGACGGCGACCCAACTTCTTCAACAACCTTCTTCCAACGCAAG  
CGAAGACACACCCACGTGAGCGAAGCTGAAGCGTTTGAACGTTTTCGCTAGACCTACGGCGTTCTCCGGCCAC  
TGTGGTGTAGACCTACGGCGACTCGAGGGTTCCAACGTCTGTTCTGTAACTGGGACGTCAGCTTTTGAATC  
ACGAACAGCGTGTGAATTCCTGAACTCTCAAAAAGACGTATAGGAAGCGGAAAAGTGGCATCTCAAGC  
AGAGGTCAATGTTTGGATCTAAGTCTTCCATTTTGAACCGGTACTGCTGCTGATAAGGTCGAGAAGTCAGC  
GAAGAGCGAGTTTTTCTGGCCTGAACTTCGTTCTGATAAAGATGTGTATCGTCCTGGCGATCCGGTTGTTG  
TTACTATTGAAATTTGTTCTCTGTCCCTCAATTGGACTGCTCTCTTTGATCGAACGACTTCGTTTTGAGATTAT  
TGGGCTCCAGAAGTTGGACGCCAGTGTTTAGCACTCAGAAGCCAATTCCTGGATCGAAACAACGGAGAGG  
TGAATACATTTTCATGGACTGCTCGGTACAGTCAATAGTTTCAAATCAGATAATATCTTCGGGGGCTATGAAGT  
CATATGTGGTTCGATCAACGCTTCCTACATGCATACCACCATCTTACAAGGGTGCCACTATTCGCTATATGTATT  
GTGTTAAAGCACATTAGTAGGACGATGGCTATCACAGGAAAATT

>trans\_c\_3628 AB061251|Solanum tuberosum mRNA for NAD(P)H:quinone oxidoreductase,  
complete cds

TCATTGGGGTGTGTTCAAAGAGAAAGAGTGTTTTTTGAAAACCTAATTTGAATATCATATCATCACATCCAA  
TAATCATCTCGATGGCATCGGTGGGGGTTACGGCCAATAAACCGGTGGTGAAAGCGGTGGCTTTATGCGGCT  
CTCTTCGTAAGGCTTCCTTAATCGTGGCCTTATTCGAGCCGCGATGGAGATTTGTAAGGAGGAATCGGGAAT  
TGAAATCGAGTACCTGGAAGTGGAGCCCTTGCCCATGCTTAATACCGATCTTGAAACTCCAGACGGAGTTTT  
CCCCCGGTCGTTGAGGCTTCCGCCACAAGATCCTTCATTCGATTGTATTCTTTCGCTTCTCCCGAGTATAAT  
TACTCTCTTGCCGCTCCCTTAAAGAATGCAATTGACTGGGCATCAAGACCACCAAACGTGTTTGCCGGGAAGG  
CAGCGGCGATAATGAGTGCGGGCGGTGGATTTCGGCGGTGGGTTGGCACAATTCATCTCCGGCAAGTGGGA  
GTGTTTTTGGACCTTCACTTCGTGAACAAGCCTGAGGTTTCATGTGCATGCATTTCAACCACCTCTCAAGTTCAA  
CCAAGACGGTGACTTGATCCATCAACAAACCTATCATCAATTGAAACAACCTTCTTCTTCCCTTACCAACCTTTC  
TCTACGACTCCAATCCAATTCCAATTAATTACCTTTGTTTTCCCTTCTTTTCTTTAATTCCGATATCCTCCCT  
TCAATAAGTTATTACAATTAATATCTTCCTTGCAATCATATATAATCATAATCAATAATAATCATCTTTGTATTGT  
GTGTTAAACAAAAA

>trans\_c\_3629 NM\_001035739|Arabidopsis thaliana MYB111 (MYB DOMAIN PROTEIN 111); DNA  
binding / transcription factor (MYB111) mRNA, complete cds

AGAGGTTATATAAATGTCGTAAGTACATACCCAAAGTGCTCCAATACAAAAACAAAAAGAAGAAGAATCA  
TCAACAAGAATAGAGATCAGAAGAAAGATAAAAGAAAGATGGTAGTACAAGAAGAAAGTATCAGAAAAGGG  
CCATGGACAGAACAAGAAGATTTTCACTTGTGTGCTTTGTAGGCTTATTTGGTGATCGGCGATGGGATTTCA  
TCGCCAAAGTATCAGGTTTGAAGGTGGCGGGAGAGTACAAGTACTGCTAGTCCTACCCTAGCTAGGTTTGAA  
AAGAACCGGGAAAAGTTGTCGCCTCCGTTGGGTAAATTATCTCCACCCTGGTCTTAAGCGCGGTAAATGACT  
CCACACGAGGAGCGTTTAGTTCACGAACTCCACTCCAAATGGGGAAATAGATGGTCGAGAATTGCCAGGAAG  
CTTCCTGGACGAACGGATAACGAAATAAAGAATTTTTGGCGAACCACATGAGAAAAGTAGCACAAGAGAAA  
AAGAAGAAGAAAGACATAGTTGTCGTGTCGCCATCGACTTCATCAACTATCGACTCGGCCCAACGACGATTG  
AGATTGGAGAAGAAAGCTTCTACGACACTGGGGCAAATCCATCGGAAGAACAAAAGGGTTATTGTTATACCA  
TGGATGATATTTGGAGAGACATTGAAGATCAAAGTACTAATGTTGTGAAGCCACACTGTGATGATCAATTCCA  
TGGCAACTTCGTCAGCTGCGGTCCGGTGGTATCACCCTGTGGGAGTATGGTCAATACTCTCCATGGAAGACA  
ATTGAGGAAGACAACAAGATATATGCAGCAGGGATGAATAGTAGTATTTATGAGCA

>trans\_c\_3630 NM\_001049056|Oryza sativa Japonica Group Os01g0235300 (Os01g0235300)  
mRNA, complete cds

AACAGGGATCGAAGCAGAATGGTGAATCCGAAATTATCAATCTTCTCTCAATCTCTGGTGTCTTCTCAGTCT  
TTACATCGCCATCGAATCACCCCAATACGCTGTTGTTTCATTGAGAATCAGACTTCGAAATCAGATTTTACAGAA  
AGTCCACTTGGATCTCAGCTCCCGTCCAAAACCCATCCTTCGAGAAAGCTACAAAAAATGGTTTCCACAGACTG  
TTCCAGTATATACAAGGTGCCAATCTGAATTGGTCAAGGATTGCCATGACTGCTCCTGTCTTGACCAGCATTGT  
CCCTGGGGCTGGCCCTCTTCACTCTTCTCTTATCGTGTTCAATTCTATCTGCCACTTAAGTTCCAAGCTTACCC  
CCTCTTCTCTTCTGAACTGAACTGAAGCCCTGTGATTGGGAAGCTCATTGTGTTGCAGTTAGGAAGTTCTC  
TGGATTTGCAAGGGACGAGAAGGTGATAAAGGAAGCAGAGAACTTGCCACCAGCTTGAGTAGGTTCCCTTT  
GGCGAATTCACCTCTGAAAGGGGTATGCATATGCCATTGCCAGTACGACTCTCCCTCCGGTTGATTGGAC  
GAGTAAATGAAGTCTGGGTCGATGTTGATGCAGCTGATTTGGAGGGATGTAAATCCAGTGCCATTGCTGCATT  
TTAATCTTGAAGTAGGGAGGAGGAACTTATGTTTCAATCTGTCCATATGAAGTTTGCTGGATATGTATTTCAT  
TTCGGTTAACATGTCTGCTTCGTCTATCTGCCTATGTAAATCGTTCACTTCCTAGTGAACGTTATGTACTTCAGA  
GACAACTCCATGTCTAACACATTATCCTAATGAACAAG

>trans\_c\_3631 NM\_001071439|Oryza sativa Japonica Group Os10g0486900 (Os10g0486900)  
mRNA, complete cds

AAAAACCCAAATCCTCAGAACCAAATCATTTCTAAATCTCTTACAAATTCGGTTGATCCCTGTAGAAAAATGG  
TCCGCATAGAAATGGAGGAACACCAGGACGAAGTTCCCAATCCTCCCAACCCCTCTGCATCGGCCAAAACGAC  
GACGGATTCAAGCAGCGGTCCGTCAACATCCAATGCGAGCAAAAACCCCTCCGATGGTTACGAGACTGCCAG  
CGATGGGGAGCTTGGTGATAGTGCCGATGAGTGTCAAGAGAATCCTGATCAACATTGAGAACAGGGGGAAC  
GAATTGCCACGATCAGTGAAGATGAGATTAAAGAGAAAGCCTTGGCTGAAGCAAATAATGCAAAGTTGGCGG  
GAAACAAACTGTTTGGAGAAGGAAAATATGAGGAGGCAATATCTGAGTATGATCGTGCTTTAAACATTGCTCC  
GGACGTGCCCCGTTGCGGTGGAGTTACGGTCCATATGCAATGCAAATCGTGGCGCTTGTTTCCTAAACTAGAA  
AAATATGATGACACTATCAAAGCATGCTCCAAGGCAATTGAGCTGAATCCTGCATATGTCAAAGCTTTGTCTA  
GAAGAGGAGAGGCTCATGAGAAGCTTGAACACTTTGAGGAGGCCATTAATGATATGAAAAAGATATTGGAAT  
TGGATTCATCAAATGACCAAGCTAAGAAGACTATCCGTGCGCTTGAACCACTAGCCGAACAAAACGAGAAAA  
GATGAAAGAAGAGATGATCGGAAAGTTGAAAGACATGGGCAATTCTTTGTTGGGTCGTTTTGGTATGAGCGT  
GGACAACTTNCAGGCTGTCAAAGACCCAAATACCGGTTCTATTCAATTTTATT

>trans\_c\_3632 AY111016|Zea mays CL9048\_1 mRNA sequence

TTACTTAAGAACAGGAGAGGTTTCAGAACTCTACTCCATTGAGCTGAACTTCAGTTTGATCTCTTATTTATATTTT  
CTAGTTACAAGGAAATCTCTAAGATTGCAGGTGTCTGGTTCTTCTCTGGCCACAAGTCTCCTGTTAGGTCTCA  
GCCGCCCTCTTTGGATTTGCTCGGGACTCTCCTTAATTCTATGACTACTCTCGAAAGAGCTGCTGAAGAAA  
GATCATTGCTATTAAATAAGATTCAAGACATAAATGAACTGTGAGACAGGATGTAGAGGGAATTATTGTACT  
GTGTGTTGGCGAAGATTTTGCTTCATTATCCGATAACATCCAGAGAAGGAGATATGTTGCCATGATTGAAATG  
TGCAAGGTTGTTGGAAATAAAAAATCAGATGATTACATTATTACTTCTCTTACTGAATATATCTTAAATGTCATT  
CTTATCCATTTCCAAGACAGCACCTTTATTCCAGTGGTAATGCAAATATTAAAGCAATTCATATCATGCCGAG  
TCTGACTCTGCACAGGAAATAACTTCATTATGTGGAAAATTGATTCTATCTTAGAAAGGCTTGAGTTGCTAAG  
CGAGAATAAAGTAGGACACAATCTCAAGGTTTTTCGCAGATTGGTGACTTCACTCAAGGAGCTGGCAATTCAA  
AAGTTAGCTCTATGAGGGGCTGTATTATATGCTACCATCCTGTACCAAGCACTGGTTAATTCATGTTAATGA  
TCTGATTTGTTCTACCATATGAAATTATTTCTTCTCTTTCTGCGTAAGCTTACTCTTTTTGGTAATAGTCAGGTT  
TATTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3633 XM\_002871781|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GGTCACCATTCCTTGAAATTTCTTTTTGGGGGATATTGAAACAACAACCAAACAGCCCTTCTTCCCTTTTAAGA  
AGCTCTTCCGTCGCCTTCTTCCCTATCCATATGAGAGCCTTCATGGAAGTCTCAGCCGATGATCGTCTATTTG  
GGAAGATGGGTTATGGATGCCAGCATTACCGTAGGAGATGTAAGATTCGAGCCCCTTGCTGTAATGAAATCT  
ACCCCTGTCGCCATTGTCATAACGAAGCTACGAGTGTGATAGCAGACTCTCTGATCGTCATGAACTCAATCGTT  
TTGACGTTAAACAAGTCGTCTGTGCAGTCTGTGACACGGAGCAGCCAGTTGCTCGAGTTTGTACGAATTGTGG  
TGTTAATATGGGGGAGTACTTTTGTGAAATATGCAAATTCCTTGATGATGATATTGAGAAGGGGCAGTTCCAT  
TGTGAGGATTGTGGAATTTGTAGGGTTGGCAGTCGAGAAAAGTATTTTCATTGCAAGAAGTGTGGATCGTGT  
TACCATGTAAATTTGCGTGACAATCATTCGTGCATCGAGAACTCTATGCAGCACCACTGTCCAATTTGTTATGA  
GTACCTTTTTGACACGCTGAAAGATGTTTCTGTTATGAAATGCGGACATACGATGCATCTTGAATGTTACTCTG  
AGATGATAAGTCGTGATAAATACTGTTGTCCGATTTGCTCCAAGTCAGTTGTGACATGTCCAAAGCATGGAA  
ACAATTGGATGAGGAGATTGAAGCAACAGTCATGCCAGAGGAATATCGTCACAAAAGGTTTGGATTTTGTG  
CAATGACTGCAACGACGCGACAGAAGTGTACTTTCACATAATTGG

>trans\_c\_3634 HM122676|Malus x domestica SCL domain class transcription factor (SCL13) mRNA,  
complete cds

TGACGTTGAACACAGTAATCTCATAATACAACCAGGAGAAGCATTGGCTGTAAATTTTCCATACACCTTACACC  
ACATGCCAGACGAGAGCGTGAGCACACAGAATCATCGAGACCGGCTTCTTAGGCTGGTTAAAAGTCTCTCACC  
CAAAGTAGTAACCATATTGAGCAGGAGTCCAACACCAACACATCTCCATTCTTCTTCTGTTTCATAGAGACGC  
TAGATTATTACACTGCTATGTTTGAGTCAATAGATGTAGCTCGTTCAAGAGATGACAAGCAGAGAATCAGGGC  
AGAGCAACACTGTGTGGCCGAGACATAGTGAACATGGTAGCTTGTGAAGGATTCGAAAGGGTAGAACGTC  
ATGAACTCCTTGGAAGTGGAGGATGAGAATGAGGATGGCTGGTTTCACTCTATGTCCAATGAGCTCATCCGT  
AACTGGAGCTGTTAGAAATATGTTGAGGGATTTCAATGAGAACTACAGACTCCAAGAAGTTGATGGAGCTAT  
CTACCTTGATGGAAGAACAGGGCAATGGCAACCGCATCTGCATGGAGATGAAAGCTTTAAAATCTGAATC  
CCATTGCTTAATTAGTTAATGTAAATTTTGTCTCGAGCTTTCCTTACAAGTAACTTTAAGAGCCATGGAGC  
GGTGATAACCCACATAGATTTATAGAATGTGAGGTTATTAAGGCTCTTCTGTTTGTAGGAAGGAACCCAAA  
TGTTGAAACCTGCTGTAAATTTTCTAACTTTGGCGAAAGAATTTTGTCCGCTGCTAAACACTATAGTTATAAA  
GATAAATCGTATCTGATTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3635 NM\_100418|Arabidopsis thaliana photosystem II 11 kDa protein-related  
(AT1G05385) mRNA, complete cds

ATATCCTCAAATTAAGAACTGGAGAAACCATTTCCATCTCCATCTCCATCTCCATCTCCATTTCCATTTCC  
CCAATTATCCTCTTTCAGTTCATTTTCCCCAATTAGGTTTAAAACTTTTCTTCTTCTCCGGATTTTGCTTCCAC  
CGATTCTACGCCGGTTCAGAACTTCATGCATTGCTGCCACAAAGTTAAGAATTAGGGTATAGCTGGAGTAACT  
AAGAAGAACGAAGATGGCCGCATTTATTCAAGCAAAGTTCTGCCCTAGGACTATTTCAACATTGGATAGAAGC  
TTAATAAGTGAAAATGGGCGTAACTACCATCCAGGTCTCAAGTAGCGCTTCCATCTCAAGAAATTTGTAGAC  
GTCATTTGGTATGGAATGGCATGTCATTGGTTGTGTTTCTCACATTTAACAATGGATTGACACCATCTTCGGCC  
CACGCTGAAGAAATGCCAAATAACATGGAGGAAGAGGATAATGGAGTTATCGGGACGATCAAATCAATATTT  
GATCCAAATGAAAGAACCAATCAGGGAAAGTATTGCCAAAGGCTTACTTGAAGTCTGCAAGGGAGGTGGTG  
AAGACACTGCGTGAGTCATTGCAGGAAGACCCCAAGGATGGTGCTAAATTTAGACGAACTGCAGATGCTGCA  
AAGGAATCCATTCGTGATTATTTAAGCAATTGGGTGGGGAAACAACTCTTGTTCAAGAGGAATCTTACGTTG  
TGTTGGAGAAAGCAATTAGGTCATTGGCAGGTTTTTATGCAAAGGCCGGGCCATCTGCGCCACTGCCAGAAG  
CTGTAAATCGGATATTCTAGATGATTTGGATAAGGGTGAAGCAT

>trans\_c\_3636 GQ377422|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription factor 2 mRNA, complete cds

CTGGCGGAAGTATGGACAGAAATTTGTGAAAGGAAATCCAAATCCTAGGAGTTACTACAGATGCTCAAGTCC  
TGGATGTCCAGTTAAGAAACATGTAGAGAGGGCGCCTCCTGATCCCAAAGTGGTGCTTACCACATATGAGGG  
CCAGCATGACCATGTTGTGCCACCTATTAGAACAGTGACGTTGAACTCAGTTGGATCCACAACAGCCCATAGT  
GACGAAACAAAACCAAAACAGTTAGTACGGTGGTTCATGCTAGTAAGGATCCGCAAAGCGATTCAAGTTCT  
GAAGGCAAATTGATTGAAGAGAATGGGAAGTTGAATGCAACAGAAACAAGTGATGACATTATACTCGATGG  
GGTGGTGGTAAATCCTAGCCCAGGAGTTGCGAGTGAACAAAATAAGCAGCTGAAAGTAGCAATCGAAAGCTA  
GAGGTAGCATGCCCTTCCAGGTTCAAATTTGTATCATCAATCAAGACACATTAATAACAGCACCAAATCATGGT  
ATAGCTCTAAAGTCAGATTATTAAGTAGTTGTATAAAATTAATAAACTGGTAAAATAAAATCAAACGTGTAGG  
TTTTCATAGCACTTTAATAAAAGATAGCTTGTTAAAAGTTAGCTAATAGTTACCAAGATGCTAGAGTCCTTGGA  
TTTTCTCTCTGGTATGCCATTTTAACTGATTGATGTAACCTTATGCTTTGATATTCAATAGTTTCCTATACTAC  
TGTTTGATCATAATGTTATAATTATAAAATATCAACCAAGAATTTCCAGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAACAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3637 AJ422053|Beta vulgaris mRNA for exocellular acid invertase 2 (exinv2 gene)

GCTTGAGAAAGCCACTTACGGAGCATTTGTCGACATGGACCCTCTTCGTGAAACGATATCCTTAAGAAGCCTG  
ATAGACCATTCTATCATTGAAAGTTTTGGTGGGAATGGGAAAGCCTGCATCACTGCAAGAGTATATCCAAAGA  
TAGCCATAAACCAAGAAGCCCATCTTTATGCATTCAACAATGGAAGTATGGATGTAAGAATTTCAAGACTAAG  
TGTTTGGAGCATGAAGAGAGCCCAAGTTGTTCCCATCCAGAAGAGAAGAAAATCACCCATTGGTTGAGATAT  
AAAAATTCCAAACGTATTTTTAGGTTATATTATTTAAACAATAAAGCAAGCACACACACATATTCTCTTTTA  
AACACAAAGTTAGAATCATTTAAAACTTGAGATTAAAGTATAGTATAGTGAACAAATTGGTATAGTTGTGCT  
TCCAATCATGCATCTGAGTGAAAAGAAAGTAAAGAATACAACAGATTCTTAAAGCAAGTGAGGAAGCAAAT  
GTAGAAGACAGAATATTTTTTAGGGCAAATGGTTACAAACACTCCTACTATGATAGTAGTTGCAATTATCCGAT  
CTTTATCATTTGGGGGCCGAATTTCCACGACTATTGTAAGTTAATTAAAGGGTCCAATTTTAACTTGTAAAA  
GTTTCAGAATGTAGTTCCAACCACTACTATAACAATCACTTCATAAAACATTTTGAATTTGTCCTCTTTTAA  
TATGGAATTGATCTAACATTAATTTGGTCTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3638 XM\_002885195|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

GTTATTCATTTCCCTATTTTGTCTGACGACGGCGCGAACCATCGGAATGGCTCTTTCGGTGGACTGTCGCCGGA  
GTTAGTCCAAACGCCATTGTAATTTCGGGACTCGGGAGCACCATCTCTTTCATGGATTCTTTCAAGTTTCTCCC  
TATCAGTCTAACTCCTTCCGGAGACCACCAATCCATTAGGGTTCTTCAGAGTTGCGATCCTATTCCACCCGTGAT  
CGCGAGCTCTGACCGATTAAACAAACTGGGCGCTTGTCTCGTCTCCATAAGTGCCTCCAAGTTATATTGCTCT  
GTCTCTCAAGGGTTTTATGATCCCTTTTCGCTTTTGACTTGAGGATGTCCATGTTCTGAAAGTTTGAAGAGATT  
AAGATGACTCAACCATCAGTGATACTTGCAACTGCTAGCTATGATCATACTATTAGGTTTTGGGAGGCCAAAA  
GTGGTCGCTGTTACCGAACCATAACAATATCCTGATTCTCAAGTTAATAGACTGGAGATTACCCAGACAAAAG  
ATATTTGGCTGCTGCTGGTAATCCTCACATACGGTTGTTTGATATCAATCAAACAGCCCTCAACCAATAATGA  
GTTATGATTCACATACTAACAATGTAATGTCAGTGGGGTTTCAATGTGATGGGAACTGGATGTATTCAGGTTT  
TGAGGATGGCACAGTAAAAATATGGGATTTAAGGGCTCCTGGTTGTCAGAGAGAGTATGAAAGTCGTGCTGC  
AGTTAACACCGTTGTTTTACATCCTAATCAGACTGAACTGATATCTGGAGATCAAATGGTAATATCCGTGTGT  
GGGATTTGACTGCAAATTCATGCAGCTGTGAATTGGTGC

>trans\_c\_3639 NM\_102605|Arabidopsis thaliana NSL1 (necrotic spotted lesions 1) (NSL1) mRNA,  
complete cds

CTCCCCTTTTTGTATTATATCTTTGAATTCTCTCTTCCCCATTTTCTTCGGTCAAACTTGGAACCTCTGCAAT  
ACGCTTTGAAAACAGCAACCTCCACTTTCAATCTTTTCAACGCCATAATTCTGGGTTTTCTTCTTTGTAGTCG  
TCGCCTTTTCCCCTTTCCATCAAAACCCTAAAGGTATTCCATCCAATTCGACGGAATTTTGGTGTTTGTCCGTTG  
AGAAATGTCTTTCAACATCAACCGGTTCAATCCTCAATCAGCCGCCGAGAAAGCGGTTTCAGTTATCGGCTTCG  
GCTACGATCTCTGTAACGATTTGCGATTGTCTTCTTGAAGCCGGGTCCATCGGGGTCTAAACTGATCGATATC  
GACTTCACTCGAAGTAGAGACCTTGACTTCCGGCCGGCGTTGTCGTCCCTAATGTTCTACTTCCATCAACTG  
TGATAAAGGCGAGCGTACCCGATTCCGGTCGGATGTCATCTCCTTCAATCAGATGTCGGAGCTATTTAATCAG  
CAATTATCTCTATCTGGGAAAATTCCGTCGGGGTTCTTTAACACCATGTTTGGATTAAAGGGTTGCTGGCAAAA  
CGATGCACGTTCCACAAGAAGTCTTGCAATTTGATGGTTGTTTCATTACACTTTATAACATTGAGTTGGAAAAAT  
CTCATATAACTCTCTCTGAGCAAGTCGAAAGGGAGGTTCTTCTTCATGGGATCCTGCTGCCCTTGCAGAGTTC  
ATTGAGAAAATATGGTACTCATGTGGCTGTGGATGTAAAAATGGGAGGAAAAGATGTCATTTTCATGAGGCAA  
TTACGAGAATCGAATGTAGAGAAAACCGATGTGC

>trans\_c\_3640 BT002501|Arabidopsis thaliana expressed protein (At4g14930) mRNA, complete cds

ATTATTCCAAATTGCAACATTGCGCTTTAGAATCATTTTCCTGTACTCGAGGCCATACTCAAACCTTCTTCTTCT  
ACGTTGCTCCGGCGAGCTCCTTCTCCGTACGCAAATATGGAAGCCACCACCGTCCATTTCAGACAGTCGCCCCGA  
CGATAATGGTCCACAACGACGACGGAATCGATGCACCCGGTCTTCGCTCTCTGGTTCGCGTCTCTGCTCTCTCC  
CAACTTTACAATGTTTCGAGTCGGTGCTCCTGATTGCGAAAAGTCAGCTGTTAGCCAGTCTATTACTTGGCTTCA  
TCCTGTTTCTGTCAAGAGAGTGGCAATTGAAGGAACCACTTCTTATGCTGTTTCTGGAACCTCCGGCAGATTGTT  
CTTCTTTGGGAGTATCCAAAGCTCTCTTCTACAGTTCCTGACATGGTAGTCAGTGGCATAAATATGGGTAGC  
AACTGCGGTTATCATGTTGTGTATTCTGGGACAGTTGCTGGTGCTCGGGAAGCGTTTTTAATGGCATTCTTCTC  
TATTTCTTATCTTATGAGTGGGTTAGAGGTAGGAGCAATATAGAAGACTATACCCTAGCTGCTGAGGCTTGC  
TTGCCATAATAAGTGCAATGTTAGCTGATGTCAAGGCTCAAATTTTTCCACGAAATTGTTTCTGAATATTGAT  
TTTCCAACAGATATTGCTAATCATAGGGTTATAAGTTAACTAAGCAAGGCCGATGCATATACACAATGGGTT  
GGAGGAGAGTTACATCCGACTCTCAAGGAGGTAAAATGTTGTCAACTATGACAATGGATCCAACATCGCCAG  
TGGAATGTAAAATGTCAAAGGAATCATCTTCATCTGAAC

>trans\_c\_3641 NM\_001066158|Oryza sativa Japonica Group Os07g0475800 (Os07g0475800)  
mRNA, complete cds

TCGCCGCCCCGCATCTCTCTCTAACACTCTCGCCTCTCCGACCGTGACCACATCCCAAGGTTTTACATGGGTGTA  
TCAATTAAAGATGCTGACTTCTTAAACGAGGATACTGTGGAAGATGATGATCTTAGTAGCGAGGATTCAGAAT  
TTGAATCACAATCTGAGTCTGGGTCTGAGTCTGAGGAGGAAGAAGAGGACGTGGAGCTATCTGAACCATCAA  
AGAATGCAATATATAATGCTGATGGTCTTCTTGACAAGCTTGGAGATATTAGCTGGCCTGAAAACGTGGAATG  
GATACACAAGCTAACTTTTGATATTGATCAAGAAAAAGAGGTGGATGTGAATGATGATCTAGCTAGAGAGCTT  
GCATTCTATACACAGGCTTTGCAGGGTACAAGAATGGCCCTTGAGAAGTTTCAATCTTTAGGACTTCCGTTTCT  
CAGGCCTTCGGACTATTACGCAGAGATGGTGAAGACAGATACTCACATGCAAAAAGTGAAAGGTGCGGTGTT  
ATCCGAACAGAGAAAGAAGGAAGAGATTGAGTCTGTTAAGAAATGGAGGAAGCAGAGGCCAAAAGAATAATT  
TTGCTGGAGGTGATAGAGGTGGTGTATGGACTTTTCCTTTGAAGATGGAAAGACATTTGAGAGGTGCGGGAG  
GTAAGAAGAGGCCGGGGGTGTCTCTGGCGATCGTTCAGGAGGGAAGGCAAGACATGGAGGTGGAGGAGG  
AGGAAAAGGGAAAAAATCTGAAGAAGAAGAGAGATTTTAGAGATTCCAAGTTCGGATTTCGGCGGCAGGAAAA  
GTTTGAAAAAGCAGAACACTGCTGAGACAACTTATGATATTAGGGGAATTCACAA

>trans\_c\_3642 AF334838|Castanea sativa ribosomal protein L17 mRNA, complete cds

ACGTCTTTCATTTATTGAGAACCCATTCTTTGCTCATTGGAGAAGAGAGAGGGAGAGGGAGTGAGAGAGTG  
ATCGAGACGGTCGCCGAAGAGCCCGTCAACAATGTGCAACGAGGTAGGGGAGGTTCCGCTGGGAACAAAT  
TTAGGATGTCGCTGGGTCTACCTGTGGCGGTACAGTGAAGTGTCTGATAATACAGGAGCCAAGAACCTTTA  
TATCATTTCCGTGAAGGGGATCAAGGGCCGCCTTAACCGTTTGCCATCAGCTTGTGTTGGCGATATGGTCATG  
GCGACAGTTAAGAAGGGAAAACTGACCTCAGGAAGAAGTGCTACCTGCTGTTATTGTTAGGCAGCGCAAG  
CCATGGCGCCGAAAGGACGGTGTCTTCATGTACTTCGAAGACAATGCTGGTGTCTCGTAAACCCCCAAAGGA  
GAGATGAAGGGTCTGCTATTACAGGTCCAATTGGAAAGGAATGTGCTGATCTCTGGCCTAGAATTGCAAGT  
GCTGCTAATGCTATCGCTTGAGTGTCAAATCAAGTGCATTTGTTTCGTCTTTATCCTTCGATATACTAGGGATT  
TAAGATTTAATTTATTCTCTGGGATTAAATTATTTATCTTGAGGAAAAAAGTATCGTTCAGAGTTTTGGTTG  
ATATTGTATGTTAATTATCTCATATTTGATTTAGTAACCCATCCAAATTCCTCCCTCTCAGAATGTCTGCAGGT  
AGAAAAGGAAATGATTGGGTGTGGATATGGATTCTCTGGGAATTAACAAGGTATTTTGAAAAGAAAATTTT  
CCACATTTAAAAAAAACAAAAAAAACAAAAAAAACAAAAAAAACAAAAAAAACAAAAAAAACAAAAAAAAC

>trans\_c\_3643 BT004556|Arabidopsis thaliana At1g54520/F20D21\_34 gene, complete cds

CTTTGCTCGAACCCCATCCATTAAATGGAACAAAACATTCCCACTTCATTTTCGCCTCCTCTCCTTCTCCATCAAC  
AAGTGGTCGCTATCATCTCTACCGGCCCTTTATCGTACCCAGAAATTTGAAAATACATGATTCTAGCTCTGTCA  
AATCCCGTGTTAGATGCTTCTTTTCCGAGAAAGGGAGGAGTTCAACGACTACGATTTGCAATTCTTGTTCCGGTG  
GAATTGGTTAATGGAGATAAACCCAAAAGCCCAATGGAGGTAATTGGGAATTCCATTATTAATGCTCTCAAGA  
CGTTGCGGAAACCGGCAATTGCTGCGGTGTTGTTGGGATTGCTGTTGATGTACGACCCCAATTCCGCGTTGGC  
CGCTTCTGGTGGGCGAGTTGGAGGGAATGCGTTTTCTGCTCGCTCCTCCTCGTCTTCGAGGAGTTACTCGACTC  
CCAGGATGAGTTCGGGGTTTTCTGATTCTGCACCGTACACTTCTCCGTCGATGTTTGGCGGTGGCGGGATTAT  
GTTGGGCGGCGAGTTGGGGTTGGAGTCGGTGCTGGCTCGAGTTTCTTCTTCATATTGGCGGGTTTCGCGGCGT  
TTCTTCTGGTCTCGGGATTTCTTTCTGATCGTTCCGACAGTAGTGTTCTTACTGCTTCTGAAAAAACTAGCGTAC  
TTAAACTACAAGTTGGGCTGTTGGGCATGGGCCGGGGACTCCAAAGAGATCTAAATAGAATTGCTGAAAGTG  
CTGATACATCAACTCCTGAGGGTTTGTGCTATGTTTAACTGAAACGATTCTAGCGCTGCTTCGACATCCTGAT  
TATTGCATTTCCGGTTACTCATCTATGGATGTGAAACGT

>trans\_c\_3644 NM\_001056193|Oryza sativa Japonica Group Os03g0266700 (Os03g0266700)  
mRNA, complete cds

GTCGACTTATGTTTCGTTGTGTTTGTAGGCCTTGATGATAAAATTAGGGCATTTCGGTACGGAACCATTATTGGC  
TGATGAAGCTGAAATCCAGTGCCATCAGCAGCTTCATAATCTTTACAATTCTACCAGGACAGCTAAGCATTTC  
AGAAGAATATCGTTTCGAGGTATTGAAGGTTTTATTTCTTTGAGTACAAAGCAAATGGCGATTGTGAGGAGGTT  
AGCTGATGATTGTAGCAAATATGGAGCCAATAATCAGAATAGCTGTCCACCCCTTGGCGACGGCTGTTCTTAATT  
TCAGTACATCGCATAGTTCAATTGAAGACAAGAGGGAAGCTTTACTTGAATCCTGGGAGATCAGGTATAAAC  
CTCAGGTATGTGATCCTCTACGTGCGCAAATAACAGGGGCACCTTTGGAGGATGCCCCGTCATCTAACATACCG  
TTACGATAAACTGCGACAAGAAGTGGAAATCCAGGCAGCTGAAGTTATGAGACGCCGAGCTAAGTCAAGAGA  
CTCTTCTATTTTCGGCCGAGAGTGCCACAAGGCTTGAAAATGCAGAAGCAAGATTAAGTGAAGTTAAGTCTACA  
ATGATGGCACTGGGTAGAGAAGCAACCACTGCTATGCAATCGGTTGAGGCACAACAGCAACAAGTAACTTAT  
GAAAGACTTCGTAATGAGTGGACGCTGAGAGATCTTACCACCAACATGCCCTTACTAATTTAGAAAAGGCTGA  
ATTATGAGTTGATTGAGTGGCACAATCAGATGGGTCTTTGTCAACCGCGGCCCTTGTGACGGACACAAATAC  
AGTACCCACAATTAGAAATGGAGAGGAAAGTGATCAACCATCTGAGT

>trans\_c\_3645 Novel Gene

ACGGCTGCTCACTCCCTCTCTTTTTACACCTTCTCCTTCTCCTTCTCCGTCCCTCTCCCTTTTCTGCTACTATCTTC  
AGCACTTGCTGAGCTTCAACCATGATTATTTTCAGAAAAGAACCGTAGGGAAATCTCCAAATATCTCTTTCAAGA  
GGGGGTTTGCTATGCCAAGAAGGATTACAATTTGGCCAAGCACCCAGAAATCGACGTGCCTAAGTGCAGGTT  
ATTAAGTTGATGCAGAGCTTCAAGTCCAAGGAATATGTGCGCGAGACATTTGCTTGGATGCATTACTACTGGT  
ACCTCACCAATGATGGCATTGAGTTCCTTAGGACTTACCTCAATCTCCCTTCTGAAATTGTCCCTGCTACCTTGA  
AGAAACAAGCTAAGCCCCTGGTAGGCCCTTTGGCGGACCACCTGGCGATCGCCACGGGGTCCACCTCGTTT  
TGAGGGTGGTGAGAGGAGGTTTGGTGACCGTGATGGTTACCGTGGAGGTCCTCGTGGACCCGGCGGTGAGT  
TTGGTGGCGACAAAGGAGGAGCCCCTGCAGATTACAGGCCTTCGTTTGGGGTCTGGTGGAAAGGCCAGGTT  
TCGGCCGTGGAGCTGGTAGCTATGGCGGAGGAGCTGCACCAAGCTCAAACCTTCTTGAAAAGTATGGTCAT  
ACAAGCAGTTCAATGAATTTTCAGTGGAAACGAGTTAGCAGCTTGAAGTGGAGAGTTTGTAGCTTTTTTTCCCCC  
TTTTATTTAGCTTATGGGAATCTTATAAATTCAAATTTTCATTGTGCAAATTGAAGTTTACAAGTACTGTTTTGC  
AAGTATAAATTTTGTCTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3646 AB079671|Arabidopsis thaliana AtPPC4;2 mRNA for protein phosphatase 2C,  
complete cds

ATCTAAAAAGAAAAAGAAAGCACACTAAAAGATAGATCTCTCTCCTCTCCCTTCGCTGAAACTAGTGTTTCG  
AAGCGCCTTGCGGCTTGGAAAATGGGGATATATCTCAGCTCCCCAAAACAGAAAAGGCCTCAGATGATGG  
TGAGAATGACAGACTTCGATACGGCCTATCCTCTATGCAAGGGTGGCGTGCAACCATGGAAGATGCTAATGC  
AGCCTGTCTAGATTTGGACACATCAACATCTTTCTTTGGTGTTCATGACGGCCATGGAGGTAAAGCAGTTTCAA  
AGTTCTGTGCCAAGTATCTTCACCGACAGGTGCTCAAGCATGAATCATACTGGCTGGAGATCTGGGAACCTC  
TCTTCAGAAGGCCTTTCTCAGAATGGATGAAATGATGCGGGGACAAAGAAGATGGAGAGAATTAGCTATTTT  
AGGAGACAAAATGGACAAGATTTCTGGTATGATAGAAGGATTTATATGGTCGCCCCAAGGGCAATGAAGCTAA  
CAACCAAGTGGATGATTGGCCTCCGGAGGAGGGACCTCACTCTGACTTTTCATGGACCAATGCTGGAAGTAC  
AGCTTGTGTTGCAATCATAACGAAATAACCAACTGTGGTGGCAAATGCTGGTGAATCTCGCTGTGTCAATTTCCA  
GAAAGGGTCAGGCATATAATCTATCTAAGGATCACAAAGCCTGATCTTGAGGTTGAGAAGGACAGAATTCTGA  
AAGCTGGTGGTTTCATCCGAGTTGGTCGCGTCAATGGCAGTCTCAACTTGGCACGGGCTATAGGAGACATGG  
AATTTAAGCAGAATAAAATATGCCCGCAGAAAAGCAGATTGTAAGTCCAAT

>trans\_c\_3647 NM\_114701|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT3G48420) mRNA, complete cds

GCAACGGCAGCTGCAAGGCCAATGGCACTGTCCGAACACACAACACAACCTGGAAGGATCAACACCAAGGGT  
GTTTCGCTGCTAAATATAGATAGCTGGATCAGGCTTCTTTTCGAGGCACTACATCTCCTGCAAATATCTTCATTT  
GCTCAGCTCGTTGAGATCCCAGTAGAAACGATACTATTGCAGAAACCGCCTTCTCGTTAGAAGTGCTACAAAC  
AGCAACTTTCACTCCTTTTGCTAATGCCTGATCAATTAGCTTTGCAACGCCAGGTGGAAGCGGTAGTAATTGCT  
TCTCAATAAGAGCCATGAACAAATCTGTCTTTGTTGTGAAGTCCAGCAATGAATGCCTTTCTTTCATCTTCAT  
CTTTTGGAGCCTTTTCTGGCCATCCAACCTTTATTGAAGTACGCTGTCATCCTTTCTTTTCCACCACCAATTTT  
TAACTCGCCATACAAGTCTACATCCCAAGTAACGCCCAATTCTTCTCTTCAAAAGTCTCATTGAAGGAAATCC  
GATGGCCATCCTTTTCAGTATCGACAAGAACCCCATCGCAATCGAAAAGAAGAGCAGACGGAAGAACAGAAG  
AAGCCTGACAAGTGATCCCATTAGGAGCATTCTTAGCGTCTATTGGCCGGATTCTCGATGTTTCGATACAACTT  
AGGCTCTTGCCCAAGAGAGAAGTAGAGAACTTCTGTTATGGGGTTTGAAATAAGCGACGGTGGTGGCAGTA  
TGGGGAAGACAAGGCGTTGTAGAACCGGAAATCGAGGGCGAGGAGAGGGAGAGTGTGTGGACGCCATTG  
GAATCCAGTCTCCTTCTTCTGTTCCGGTTTTGGTTTTGTGAATTC

>trans\_c\_3648 GU045560|Solanum tuberosum glucan/water dikinase (GWD3) mRNA, complete cds

AACAATGTGAGAACATATGCTGAAGCTGAAATTCGTGCTAGTGTAATTTTTCAGGTATCGAAGTTATGCACTA  
CTCTTCTGAAAGCAGTCAGAAGTTCACTTGGATCACAGGGCTGGGATGTTCTTGTGCCAGGATCTGTTGAAGG  
AACATTTGTTTCAGGTTGAGAGGATTGTCCAGGGTCTCTTCCAACATCCATAGAGGGCCCTGTTATTCTTATGG  
TTAATAAAGCTGATGGCGATGAAGAGGTTTGAAGTTAAATATGTATCACTTTCCCTATCGATGGTCCCGTTATT  
GTTTTGCACCTCTTCTTATGACATTGATGGTAGAATTAGAATGCACCTCCATGAAAGAAAAGAAAATAAAATG  
ATGTTAAAGTTGATTATTTGCAGATAACAGCTGCTGGAAGCGACATAACAGGAGTTGTGCTACTACAGGAACT  
ACCTCATTTATCTCATCTTGGTGTGAGGGCTCGTCAAGAAAAAGTTGATTTGTGACGTGTGAAGACGAGGAG  
AGAGTTTCTGTTCTGCAGAACTTCTCGGAAAATTTGTGAGGATGGAAGCATCGGCAACTGGCGTTCATATAT  
GTCCTCCATCAGATTCTAGCCCCAATAATTTTCCATTAGCACTGATAAATTTCTGCCAGAACTGCTCCAGATG  
AATATGTGTTTACTTTTGAAGAGTCCAGTATGGAGGATCCCTCATTACCTCCCGACTCGAAACAGGTTCCATAT  
ACTGTAGTCAAACCATTTCTCAATGATACTTGGACATATCTTCTTCTTTAAAAGATCTCCAAAATTGCCTCACC  
AGAATTTTTATTCTCATAGTGTATTTATTTTCTCCTGAT

>trans\_c\_3649 XM\_002884150|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata catalytic/ coenzyme binding  
protein, mRNA

TTCATCAAACTCTTCGCCTCGTTAATTAAAGCGCTTCCCTCTCTCTCTTTCCCTCTCTCCACCGTTGCTCACTCC  
GATCCGATTCCAATCAAAGATGCAGGCCCTTTTCGAGGCGTCTAGTGCAGCAGCAGCAGCAGAGTCTCAGCTCT  
TCTTCCTCAATTTCTTCTATCAAGTTCATATACCCTCTTCTCATCACTATTGTGGGGCTGATCGTCCACGATATG  
ATTCCACTTTGGCTACGAGGGGTGTGCGGCACCTTGCCCGTAAGGGCACTGGTGGGAGATCGTCTGTTAGTG  
GGATTGTTGCTACTGTCTTCGGAGCTACTGGATTCTTGGCCGATATGTTGTACAGCAACTAGCTAAAATGGG  
TTCCCAAGTGTTAGTCCCTTTTTCGGGGTTCTGAAGATTCACCTCGACATCTTAAAAATAATGGGAGATCTGGGAC  
AGATAGTACCGATGAAATACAATCCAAGAGATGAAAGTTCAGTAAAAGCTGTAATGGCAAAGGCTAATGTGG  
TCCTTAATCTTATTGGAAGAGAGTATGAAACAAGAACTACAGCTTCGAGGAAGTAAATCATTCCATGGCAGA  
ACAACCTGCCACGATTGCCAAAGAACATGGTGGTATCTTGAGATTTATACAAGTTTCCTGCCTGGGTGCATCTT  
CATCATCTCCATCCAGATTTCTAAGATCTAAAGCTGCTGGCGAGGAATCTGTTTTAAAGGCATTCCCTGAGGCT  
ACAATTCTGAGACCTGCAACTATGATTGCTACAGAGGACCGTATTATGAATCCATGGGCACATTTTGCTAAAA  
AATATGGCTTCATTCCACTTTTTGGAAATGGATCTACAAA

>trans\_c\_3650 NM\_001073871|Oryza sativa Japonica Group Os12g0630700 (Os12g0630700)  
mRNA, complete cds



AAGGTCATTGGAGCTGCGCTCTATAACCTTCAACAAGTCCATGGAGATTACCTTCTCCTCCGTGCTCTATACTC  
ACCCTATCAAAAGAACCACAACCTTGCAATTGCTCATACTCCCATGCCATTCTACACACCTACCAAGCAGTTTCT  
ATCCGTCTTCTCCGCGTCTATCTGTTTTCCCGAGAAGCTACAATTTCAATTGTAACTCGAGTTTACGAATTAGAA  
GATTAACAGCTTTTCAGCAGTTCAGCCGTTCTAACAATGACTCACCCCAAGAACTCGCAGTTCTTCTCGAAGTC  
GAAGGAGTCCTAGTGGATGCATATCGCTCAACTAATCGCCAAGCTTTCAATGAAGCATTTCGTAAGCTTGAC  
TTGACTGTGCAAATTGGACTGAACCTGTATATTCAGACCTTGTGAGGAAGAATGCTTCTAATGAGGAACGGAT  
GCTGATTATGTATTTTAATCGTATTGGTTGGCCGACTTCACTACCAACAAATGAGAAGGAATCGTTTATTA  
GTGTTCTGCGAGAAAAGAAAAGGCATCAGATGAATTAATGGTTTCACAAAGTTTACCTCTACGGCCTGGAGT  
TGAAGATTTCAATTGACGATGCTCATAACGAGGGAATACCTGTGGTTATTCTCACAGCCTACAGCAAGAGTGA  
GAAGAAATTGCTAGATCTATCATCAATAAGCTTGGACCTGAGAGAATATCCAAAGTAAAGATTGTTGGGAATG  
AGGAGACGAGACAGAGTTTATATAGTGAATTTGTGCGTAGTCAAGCAAACCAAGTCAGGTTTGAAGGGGAAC  
TAGCTAAAGAGGCCATGAAGGCAGCTTCTGCTGAGAAACAA

>trans\_c\_3651 AF092432|Lotus japonicus protein phosphatase type 2C (PP2C2) mRNA, complete cds

CGTTGAGGGGGCGGGCGGGAGGAAGGCGGCCATGGCGGGGGGGGATTCAATTCATTCAATTCATTCTCCTCA  
TCACATTCTCCTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTTCTCCTACGATAATAATTCACCCCACTTCACTTTTCTTTTCAT  
CCTCTCTCTCATTCTCCAATTTTCCACTCCTTTATTCAAATTTCCAACAAACCCATGACTGGAAAAGAGATTCTCC  
ACAAGATGAAGGAAAAAGTTGGGCTGTGCTCGTCCGATCCAGACTCGGGAAAAGGAAAGAGCAAGATGTCC  
AAGCATGTCACACATGGCTTTCACCTGGTGGGAAGGGAATCAAATCATGCCATGGAAGATTATTTCTGTTGCAG  
AGTTTAAGCAAGTTGATCATCATGAGCTTGGTTTATTGCAATCTTCGATGGCCATTTGAGCAATTCTATTCTG  
ATTATTTACGGTCACACTTATTTTCTAATATAATAAATGAGCCCGATTTCTGGACCGATCCAAAGAATGCTGTTA  
GGAAAGCATACGAGCAAACTGATGCTTACATTTTAGAGAAAAGCTGTTGATTTTAGTCATGGAGGTTCAACCGC  
TGTCACAGCCATATTGATTGACTGTAAGACACTAGTAGTGGGCAATGTGGGGGACTCCCGTGCCGTTATTTGT  
ATTAAGGAAAGGGCAAACAATTATCAATTGATCATGAGCCAAGCGTTGAAAGAAAAAGCATTGAGGACAGA  
GGTGGTTTTGTATCGAACTTCCCTGGAGACGTTCCACGTGTTGATGGGCAGTTGGCGGTTGCAAGGGCATTG  
GTGATAGGAGCTTAAAGAAACATTTGAGTTCAGAGCCTTAT

>trans\_c\_3652 AY103809|Zea mays PCO095316 mRNA sequence

ATCCTTCAAAGCCCTCCAAAATCGGCGTCGGCTCTCAGTCGCCGGAAGTGTATCGATTTTCTCTGCTACTTCA  
GCAGCGAAACGCTAAATCTTATCTCCTTCATCCCCTCGTCGTGGACCATGTTGCAGATAAGAAGTCCCAAGAAT  
CGGAAAGTTAAGCGGGAGCTCGAGAAACGTGCCCCAACTTGTTGAGACGGGGAAGAAGACGCTAATACT  
TCATGGAAGTAAACGAGTGGCGTGCTGAATGAAGTACTGACGGAACCTTATCACCTGAAGAAAGAAAGTGC  
CGTGAAGTATTCTCGTAAGAATGATGGAATTAACCATTTGAAAGTGGCGGTGACGCGTCTTTAGAATTTTCT  
CTCTCAAACTGACTGTAGTATTATCCTGTATGGTTCTCACTCTAAGAAACGACCCAATAACCTTGTCATAGCA  
AGAACCTACAATCAGCATATCTATGACATGGTTGAGGTTGGGATTGAGAATTTCAAGTCAATGCATTCTTTCGC  
ATACGATAAGAACTAGCTCCACGGGTGGGGTCAAAGCCTTTTCACTTTTCAATTGGGGAAGGATTTGAGAAT  
GTGGAAGAGCTAAAGCATTTAAAGGAAGTCTTGCTTGATTTATTTGAGGAGAGGTTGTAGAGAATTTAAATC  
TTTCAGGATTGGACCGTGTACATGTATGTACAGCCATCTCACCAATAAAGTATTTCTCACTCATTGTGCATTCC  
GATTGAAGAAATCGGGTTCAAGTAGTTCCAAGAATGGAAGTGAAGTTGGTCCTTCAATGGATATGGTGAT  
TCGCCGCCACCGACTTCTACTGATGGGCTAAAGAAAAAGGGCA

>trans\_c\_3653 AY042881|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F2103.2) mRNA, complete cds

AGATGTGTTTATAATGGAAGACTAGAAATTTGCCATGCAAAGACTGGGAACTGGAGTCCATTTACGAGTTAG  
AGGTTCTTGAGATGATTAAAGAACACATAACCACAGTGATTGGTTTGAGAGCAGATTGAGTGTACGGACA  
ACTGGGCTATGACTAACATTAGACAAGCACACCTTGGTCGTGTTTATGTGGCCTCCATCTTATATGGCTACTTC  
TTGAAATCTGCTATATTGAGCCATCACTTGGAGCAAAACTAGCCATACCTAACAAACACCGTAACGGTGGTC  
ATCCAAAACTTTCCTCCAGTTCCTGAGATGTGTCTTTATGGATTAGAAATCTTCTCTCTGGTCGTCTTAGTA  
ACATGCTATCAGTGCCTCACAACCAAGTGTGAACAGCGACCAGGAGACGGAGCCAGAGAAGTTAAAGCGTT  
TCTTGACGGGATTTGATTCCGAGGCATTGCAGAGATGTGCAAAGCTAAAATCTAAGGAAGCCTTGAATCTGAT  
TGAGAACCATAGTTACGCATTATTGGGAAATGAGGAAGTCGGCTTTTTCGAGAACAATGAGGTGCTAGTGAC  
TTCATTTTCAAGCTTGAAGAGATTGGTATTAGAGGCTGTTGCTTTTGGCTCTTTCCTTTGGGATGCAGAGGAGT  
ATGTGGACACCATTTATAAGCTTAAGGAGAACTAATCCAGTAAGGTATTTTCGTAGATATAATAACGCTTCTC  
TGTATATAGGATGAGTTGAAGACGCATTTTCCAGGAAAGTTCACCATCTGTATATAATATCTATATATAAATT  
TCCTATGAAGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3654 XM\_002888244|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family  
protein, mRNA

TTCCTTTCGAACAAGAAAACGAAATTTGTGGCAGAATCAGAATAGTTTCTGATTTTTATCCTAAACCCAAATCA  
AACCTTTTGAAATGATAAATTCGTTATCGTTGCTTCTACGGCGGACACCTCAATCTTCATTTGCCCTAGCAC  
CGATTTCAACTACACTCGGAGGTTGCTTTCGAGGTCTGTCATCGCCGCCGTCTAGCATGGGTGAGGCATTAC  
GGAGATTTCGGAGGCCAAGACTGGAAGAATAAGCAATTGGAGATGATATCAAATAAAATATTTGATAGGTTTC  
ATAAGGAAAAGTTGTCGTTTGAAGATCTGTACATTGCTACGTTACTTGTATTCAATGATATTAATAAGTATCTG  
CCCGGACCGCATATTGATCCTCCACGAAGGAGCGTGTGCGAGAACTCGTAGAGAAAAGCGACGAGAACGA  
GAACCAAGCAATTGACCGTGATGAATTTTGAATTCATAAAGCTCCTGACATTTGAGTCGATCGCATCAGTG  
AGCCAGAGATTGATCATCATTGGTGGTAGCACCAACCTTGGCAGTAGTCACAAAGAGAAGTACTGAAGGG  
ATTCCAGGCCTTGAAAAATGGTTCAAAGGTTCCATCTTCAGCTTATGCTCTTCTCGTCACCCTTGCTGCCCTC  
CTGTTCCAAAACCTCTAATCAGCAGCTTCTTAAATGACAATTTTACTCTGTTTCATTCAATCCATATATATAAAGTC  
CTTTGTATTTTGCATATATATGTATGTGATTGTGAACCAATAATAACACTCTAGCTTTGAATCAACTATTTGAAC  
TCTTGTTTGTATTTCAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3655 BT022040|Arabidopsis thaliana At3g59800 gene, complete cds

ACTGGGTCTTCTTCGTTCTCTCCCTCTCATCTTCTTTGTCCGACGACCGACCGGCACTCTGGCGTGCCACT  
AACGCCACTGCGGGCCTTCTTCGTTGCCGTGAGCTTTTCGCTTCTTCGTTGACTTCACGCCTAACGCCCCACTGG  
AATCATCTTCTTCGTATATTTGTGCTTCTTAATTGATTTCTTGCTGACATATTTGAAATGGGTAAGAATCAA  
GCATACAAAGCAATGCAGAAAGCTAGGCTGGGATCCTCAAGCTCGACTGGGCCAGCTGAGATTGAAGATGG  
AATGGTGGATGGTTCATTTCAATCACCAGCGTGGCATGCTGCTCGTTGGCCAGCCTTAATACTTCTCACACGG  
TTACCTGGGAGGAGTATAAAAGGAAGCAAAAGAAGATGAGTTGAAAAGGGGAGAGCTGGAAGCAGATAC  
GGATAGAATGATGAAAGAATATAGAGCACAATTGGATGCTGAGCGTGCACGAAAACCTTGCTCATGGAAGAAA  
TCGTTCTAGTAGCAAGACTGGTCATGAAAAGGATAGGAAGAACAGAGAATTAAGAAGCGGAGCAAAAAA  
AGAGAAAGGTGCTGACATTGTTAACTCTTACTACCCGATTGAGCTATATTGCTTTTTGATAATGCTTGCTCCT  
TTGAGTTGATAAGTATTGTTAACTTGATGCCACTCAAGTTACTTTGGTCATTTTGGTAGTATGAGCACTATGA  
AATCATGAAACATCCCTTTAGCACCAGGGGTATTTGGTGTCTAGTTAATTTAATCTGGTAAACTTTGGTGA  
TTTTCAAGTCAATAAATTCTGTAAACCGATTTCTTCATTTAT

>trans\_c\_3656 XM\_002873488|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

>trans\_c\_3657 NM\_001185557|Oryza sativa Japonica Group Os01g0652800 (Os01g0652800)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_3658 DQ838492|Gossypium hirsutum vacuolar H<sup>+</sup>-ATPase subunit C (DET3) mRNA, complete cds

>trans c 3659 BT011624|Arabidopsis thaliana At1g64650 mRNA, complete cds

CATTGCTGGTTTTGGTTCCTCCATGTTGTTGGTACAATTGTTGGTCTCTTGCTGACAAACAAGGACGAAAGA  
GGGCTTGCACTTATTGTATTACATACATTCTGAGTTGCATCACCAAGCATTCTCCTGAATACAAGGCTCTAA  
TGGTGGGCCGTGTTTTGGGAGGTATTGCCACTTCGCTCCTCTTTTCAGCATTGAGTCATGGCTTGTTGCAGAG  
CACAATAAGAGGGGCTTTGAACAGCAATGGTTGTCTATTACATTCTCAAAGGCTATATTTCTTGGCAATGGTCT  
TGTTGCAATTCTTGCTGGGTTGTTGGGAATGTACTAGTCGATAGTCTGTCTCTTGGACCACTGGCACCTTTTG  
ATGCCGCTGCATGCTTTCTTGAATTGGTATGGCCATTATTATGTCATCATGGACTGAGAACTCGGGATCCATC  
AGAGAATAAGGATTTGCTCACCCAGTTCAGGGGGGCTGCTGTTGCCATTGCATCTGATGAGAAGATCGCGCT  
GCTGGGTGCCATCCAGTCTCTATTTGAAGTTCAATGTACACCTTTGTGTTCTCTGGACACCTGCTCTTAGCCC  
AAATAATGAAGATATCCCCATGGCTTTATTTTTGCGACATTCATGTAACTTCAATGCTTGGAAGTTCCTTGC  
ATCTAGGTTGATGGCTCGAAACACACCAAAAGTTGAGAGCTACATGCAGATTGTTTTGTTGTCTCATCTGCCT  
CTCTGTACTTCCAATAGTGACCAGTTTCTTGGTACCTCCATCAGATGTGAAAAGGTGGAAGCATCTCCTTCTC  
AGGCTGCATCCAGTTGCTTGGCTTCTGTGCTTTTG

>trans\_c\_3660 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TGGAAGAAGGAACCGAGAAGAAAGTATCAGCAACAACAGGTTTTATTACGGGACAGCTCATGATGTTTCATAT  
CGATCTATTATGCGCCTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATAACTGTCCTAGCTCTACCGTATCTTT  
TGTTTTATTTCTTCTGGAACAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGATCTACTACCAGAACTCAATGCGTAATC  
TTAGCATTCAATGTGTATTCTGAATCATCTCATTTTTCAATTATTCAACCATTTTCAATTTACCAAGTTCAATGTT  
AGTCAGATTAGTCAACATTTCTATGTTTCGATGCAACAACAAGATGTTATTTGTAACAAGTAGTTTTGTTGGTT  
GGTTAATTGGTCACATTTTATTCATGAAATGGGTTGGATTGATATTAGTCTTAATAAGTACCTTGTGTCAGAAT  
TGAGAAATTCTATGGCTCAAATCTTAGTATTCTTATTATTACCTGTGTCTACTATTTAGGCAGAATACCGT  
CACCCATTCTTACTAAGAACTGAAAGAAACCTCAGAAACGGAGAAAAGGGGGGAAAGCGAGGAAGAAACA  
GATGTAGAAATAGAAACCACTCCGAAACGAAGGGGACTAAACAGGAACAAGAGGGATCCACCGAAGAAGA  
TACTTCTCCTTCCCTTTTTTCGGAAGAAAAGGAAGATCCGGACAAAATCCATGAAACTGAAGAGATCCGAGTG  
AATGGAAAGGACAAAACAAAGGATGAATTCCACTTTAAAGGACACGCTATCAAAATATAACAAGACCTGTTT  
ATGAAACCTTCTTAACCTCCGGATGGAAATCAAAGACAATT

>trans\_c\_3661 NM\_001186792|Oryza sativa Japonica Group Os03g0856200 (Os03g0856200)  
mRNA, complete cds

ATCAACCTCAAACCTAATTTGAGTGATTGAAGACGTATTCATATGTATTTGAATATAACAAAAGTGATTTTAA  
CTATTTCAAATCACTCCCTCGGATTAGACTGTTCCACCGTGAAAATCTGGATCAAAGCAATATCTTCAATTCT  
TTACATGGCTTCAAGTTCTAACTTACAAGCCAAATGGGTCCGATGAAGACCGAGTATGAGAGCCAAATAGAAT  
AGGTAGTAAAGTAACTTATCGATCACGATGAAAATTCACAGAGCTTGAAACAATTCTTTGGCATAAGTTTG  
AGTAAAATAGTTGAAAGCAGCAACCAACAAGATAGTGTGCATCCGTTTCATTGATCAAACCTCATCGGGAGGT  
TTTAACCTTATCAGCCTCTTGATCCTGTCTTTCTCCGTGTTCTCCAAGATGCCCGTCCAGACAATTTATCAAGA  
CACAAACAAATCTTTCCATATTTGTCAAGAAACAAGCGCTCAGTTGGAGCTTTCCACAGGCATCCTTTATCGC  
TGATGTTATTACAAAGATCACTTCTGCCAAAGCCAATTCATCATATTCGTCCTTCCCGACAACATAAACTGCTAC  
ATCGCCAAGCACAGTGTAACAATATATACAGACTTGTGTGAAGCAACATATAGCTCTTCATTTTTCGCACCTT  
TGAGATTATCAGCTCCAGCTTCACTAAAAATGATCGCCAATGCAATCGCTCCTCTGCAGGAACCTCATGAAAC  
CGTTCAACGAGAATGTTGCCGACGGAGTTGGCGATGAGCACAGCGAGCAACATGCCTGATCTTTTCGAGTCA  
GATTTCAACTCTCCGATCGGAATTTCCGATGTGAAATT

>trans\_c\_3662 AJ310910|Solanum tuberosum mRNA for UDP-Glucose:protein transglucosylase  
(uptg2 gene)

AAGCTCAAACCTTCAAACCCCACAATTTCAATTCATCTCTCTCCACTTCAAATGGCGGATTCCAAAGTTTCCCC  
AGTTCCCCTGTTGAAAGATGAGCTCGATATCGTCATACCCACCATCCGAAACCTCGATTTTCTGGAGATGTGGA  
GACCCTTTTTCCAGCCTTACCATCTCATCATTGTTTCAGGACGGTGACCCCTTCTAAGGTCATTAAGGTTCCCTGAG  
GGTTTTGATTATGAACTCTACAATCGTAACGACATCAATCGGATTCTGGGTCCTAAAGCTTCTTGCAATTCCTTC  
AAGAATTCTGCTTGTCTGTTGCTTTGGTTATATGGTCTCCAAGAAGAAGTATATCTACACCATGATGATGACTG  
CTTTGTTGCTAAGGATCCATCAGGCAAGGACATTAATGCGCTTGAGCAGCACATCAAGAACCTTTTGAGCCCG  
GCTACACCACACTTCTTCAATACCTTGTATGATCCATATCGCGAGGGTGCTGACTTCGTCCGTGGATATCCATTT  
AGTCTCCGAGAGGGTGTCCCGACCGCAGTGTCTCATGGCCTGTGGCTCAACATCCCTGATTATGATGCTCCCA  
CCCAGCTCGTGAAGCCTCTGGAGAGAAATAAAAGGTATGTAGATGCGGTCTTGACAATCCCAAGTCAACCCT  
CTTCCCCATGTGTGGAATGAATCTGGCATTGACCGTGATCTGATCGGCCAGCAATGTATTTTGGTCTCATGG  
GTGATGGTCAGCCAATTGGTCGCTACGACGATATGTGGGCTGGCTGGTGCATGAAGGTTATATGTGACCATCT  
TGGATATGGAGTGAAGACGGGATTGCCCTACATTTGG

>trans\_c\_3663 CP001577|*Micromonas* sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

ACGATTCTGATCTAGAGAAGGGAGTAAATCAACTGATGGAGCTCGTGAAAGAGGGAAAAACCGTGCAGAT  
GGTTTGGACAAGTTTAAGAAAGATTCTATCCATGAGTCCAATCATGCAAGTCAACGTACAGACAAAATGAACA  
GCAAGAGAAAGCTTGATGAAGGTCGTGAAAATGAGCAAGAGCCAGAGTCAAAATCTAGAAATCGAAATTCTG  
ACCCCAAGAAAGATTTCAAACATGATTCTGAATCAAGCAGAAGATCACGAAGTGGTAGGTACGATGAGACAA  
GTGATGGACGGTACAGGGAAGACTCCAAAATTGACTCTGAATCAAACACTAGATCACGCTACAGTGCACACA  
ATGAGGATAATGACAGAAAGTCGACTCGAACAGGAAGCAGATACACTGAAGAACTGAGCATGGAAGTAGA  
CATCATCGCAAGGCTAACGAGTCTCATCACCACCGCAGGACTGATCAAGATACTGAAGAGGAAAAAAGGCAC  
AGCAGATATGAGGAGCCTAGAGGGAGAAAACATGAAAGAGATGAGGGTCTAAAATCGAGCAGGGAAGTTG  
AAAGAGGGGAGTATCAACCAAGTAGCAGGCAGAGATCTGAGAAAGATTATGAATCTACAGGAGATAGGGAG  
GATTCCAGAAAGAGGGCCAAATATGAATCTCGATCGAGCAGACATGATAATCATTAGGCTTGGGTTTCAGTATT  
CGTATGTTTGCTTATTGTTTATTTCTCTTTCCCTTTACGACAATTTATGTGAAATATTGTTTGCTTTCAGCTTGCT  
TCATAGTTGCTACAGAAAAGCTTGTTACGGGCAGGGACAGAAATGGGATTGCCTTT

>trans\_c\_3664 BT006550|*Arabidopsis thaliana* At5g19590 gene, complete cds

AACACAAACAACGTATCTAATACTCTAATTGATTTCCAAAATCTGAAACCAACAACATTTGATTTTGATTGAGA  
GGTTGAAGAAGCTCACACCATGAAATCCATCTTCTTCTCTTCTCTCAGCCCTCCTTCCCCTTTCCACTCAA  
TCCATTGACTCCAAAACCTAAACATTCCACCTTCTCTGCCCATGCTCGCCTCGCCGATTACGGATTCCCCTTC  
GGCCTTCTTCCCTCCGCCGTCTCCACCTACACCATTAACGAGACCTCCGGTGACTTCTCTTTGGACCTCGGTGAT  
TCCTGCAAGTTTCACGCTTCTCCAGACAACTATGTGGCTTCTTTTCTAGGGTTGTAAGTGGTAAGATTGCAAA  
GGGTCGGATCCACAATCTTGATGGGATTCTGTGTTGGGCTTTGTTCCAGTGGTGGTCGATTACTGGTATTAGG  
TCCACCGGCGAGGATTTGGTTTTCGAGGTTGGGTTGATCACTGCGAAGTACCCGTCTAAGAGTTTCAACGAGA  
GCCCAGTGTGTGAAGGCCGTGGTCTTCTTCTGTAAGAGGGGCATTCACTTCAAGGATAGATGAACTTAG  
TGGATAATGCATATCATTTTATGCTGGTTCTTTTAAATGAAAGGTAAACCTTCTACATATTCTGGCTATGTGATG  
AACTATATACTTTGTAATTTGTATATATTTTAGTTCTGCGGATTGTAACACTTGCTACTTCTAGTTCTGGATTAAT  
ACTCTTTTAAATTAATAAGGTTAGTACTTGATTATGAGCTGATGTGTTGTTGTTTATACACTTTTAACTTTTCCCT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3665 AF239218|*Spinacia oleracea* plastid-specific ribosomal protein 3 precursor (Psrp-3)  
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CTTCTCGAATTTCTCTCTATCTCTTAACACACTCTCTATGATGTTATCCATGGCAGTTCAACTTCAGCCCAATGTT  
CATTTCTGTTTCAATACCTCCAATTTCACTGCCCAACCCGCTTCAAACCATTTCCAATTCCTTTTGCTGTGAAGC  
AAAGAACCACCGCTTCTTCTGCATTCCAATTTTATTCTGTTTTGGCTTGAAATTGAGGCGCCAGAAGTTAC  
GAACTCAAGAAATCTCTGCTTCTGCTGTGTCCACTGAAGCTGTTGAAGCTGCTTCAGAATCGTTGTTACTGAT  
GATTCCGATTCCGTCTCTCTCTGTTAAGGAGAACTGGGAGTGTTGTAAAACCGATGGAAAAGCCAAGGC  
TTGTGCTAAAGTTCATATGGATGGAGAAGAACATTGGTATTGCACTTGATCAAATGATTCCTGGTCATGGAAC  
TATTCCTCTTAGCCCGTACTACTTCTGGCCTCGGAAAGATGCATGGGAAGAGCTCAAAGTCTTACTTGAGAGC  
AAGCCCTGGATTCTCAAAGCAGATGATTATCCTCTTAATCAGGCAACTGACATCATCAATTTGTGGCAGCA  
GGGTGGAGGCAACCTGGCTTAAGCTCCAATGTAAAAAGTTCCAAAATTTTTGATAGTAGTCTTAGATTGTGA  
CTATTCTTGAATCGTACGGCTATTAGATGTCCTTTTCGTATATTCTGAAGTAATTTATAATTTTAAATGACT  
CATCTTTTGTTGTATATTATGTTGGTTGTGTAACCATCTACAGTTCACCTGAAAGTTTTGTTTCATAGTGAATGT  
GAAAACCTGTTATTTTATAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3666 XM\_002880169|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata diacylglycerol kinase family protein,  
mRNA

GAATCTTGAAAAACCCATGAAATTTTGAATCTTTTCATTAAGCAACTGCGTTATTGTGATATGAAGCTTTGA  
TAATCATCTCCTTAATGTCATTGCCATGTCCTTTCCGATAATTATTACTATTTTCCCAAATCATAGTCTATAA  
TTTCCTAATCTATCGGACAAGGAAGTTTCAGCGATTAAGAAGATGGTTGTTGTTTCCCTTTGCTATCACTTAGC  
ATTGGGATCTTCCATGGCGACAAAACCTTTATCACCATGGCCGAACAGCCCACTGCGCCGATCTCTATGTCG  
ATCGGTCAACTTTTCATCGTGAGTCGTCTTCTTCTCTCTCTTCTGGCCGTCGCGATCTTGTTTTTGTGTTAA  
TCCCCGCGGTGCAAATGGTAAGACCGCGAAGGAATGGAAGAAGCTCGTTCCTTATCTACGCACTCGGCTTGGT  
GAACATTATAATATATGTGAATCTCTGACGTCAGGTCCTTGCCGTGCCATTGATATAACGAGGGAGGCAATTC  
GGGAAGGTGCTGATGCTGTGATTGCTGTAGGAGGAGATGGAACTTTCATGAGGTGGTCAATGGCTTCTTTT  
GGGCTGGAAAGCCTATTGTTAATAATGATGGAGAAGCTCGTAAATCAACAGCACTTGGTATTATTCCATTGGG  
GACAGGTTGAGATTTTGCAAGAACATTTGGTTGGAATAACAATCCTTTTGAAGCTGCGGACCGTATAGCCAAA  
GGGTTGAGGACCCGAATTGATGTTGGAGTTGTCAATGAAGATAATGGGGGAGAATCATTACTTTGCAAATGT  
TGCAGACATTCATTTGAATGCAAAGGCTGGTTTTTATGCT

>trans\_c\_3667 NM\_001037080|Arabidopsis thaliana Expressed protein (AT5G66005) mRNA,  
complete cds

GTGGGAATTCCAAAAGGAACTCTGAAATGGGAGGGCCAGGGCGGTGCCTGCTGGTTACGGGTCTCCGGGT  
GTGGGCAAACCACTCTGATCGTTAAGGTTTTGAGATGCTTAAAGCCTCTAGCCCTAACTGAAGATCAAAG  
GCTTCTATACACGAGAAATCAGGCAAGGAAGCCAGCGTGTTGGTTTTGAAGTTGTTACATTAGATGGCCGGAC  
AGCTCCCCTTGCTCCACCTCTGTGTCCAGGTGTTACCTCTCTATCTCTCATCCTCTAACTTCCGTTGGTTCCG  
TTAGGCTCCTCGATACTTGATTTGAATGCTTCATTTTATTCAATTCTGTGGTTCTTCGAGAGTTTTTGTTCAC  
GACAATGCAGCAATTTATTGGTCATTGCTTAATTTATAATGCAATCACTTCTAATTCTCTTGCTCCATTCTCA  
TCTGAACTGTAATGCTACGGGAATTCACCTCGAAGTTCAGCATGATATTGATATTGCAGTTGCGCAGCTAGAAC  
GATGTAGTTTTTGTATGTTGCAGTTGTTTTCCAATTATGACGACTTACAAGCTTCATCGATGTAATGTAAGTACT  
CTGATTTTACTGTTTAATAAACTTACAATGTTTTCTTCACTATGCATGCATTTACCTTTCTGTCTCAACAATGT  
ATGTGTATTCAATTTCTTTTCAATGTAAGAGTGGTTGCATTGCACGAACTTGCTGAACTAGAACAGTTCTAT  
ATAGGCTGTACAACTATCTCCTGAGTTTTAAAGAGTGGTTGCATTGATCTGTGTTAGCTTGAATTTATCGGTTT  
GGCCATGAGACTGGAAATGGCATGTATATGG

>trans\_c\_3668 NM\_113479|Arabidopsis thaliana PP2AA2 (PROTEIN PHOSPHATASE 2A SUBUNIT  
A2); protein phosphatase type 2A regulator (PP2AA2) mRNA, complete cds

ACGACAGGTTCTGAACTCGACCAGCCAAGGGCATTGATCTAGGTAAGCGCTGAATAAGATGTCTATGGTT  
GACGAGCCGCTTTATCCAATAGCTGTTCTTATTGACGAGCTGAAGAATGACGACATTCAGCTACGGTTGAACT  
CCATTCGGAGACTTTCCACAATTGCACGTGCTCTTGGAGAGGAGCGAACCCGTAAAGAGTTGATCCCATTTCT  
GAGTGAACAATGATGACGATGATGAAGTACTTCTTGCAATGGCTGAGGAGTTGGGAGTGTTTCATCCCTTAT  
GTTGGTGGAGTTGAGCATGCCCATGTTTTGCTTCCACCTCTAGAACTCTGTGCACCGTTGAGGAGACATGCG  
TGAGAGACAAAGCTGTGGAGTCATTGTGCAGAATTGGATCTCAGATGAGAGAGAGTGATTTAGTTGATTGGT  
TCATTCCTCTCGTTAAGAGATTGGCAGCTGGTGAATGGTTTACAGCTAGACTATCTGCATGTGGGCTATTTTCAT  
ATTGCTACCCAGTGCTCCAGAAATGTTGAAGACTGAGTTGCGGTCAATATATGGCCAATTGTGTCAAGATG  
ACATGCCCATGGTTAGGAGGTCTGCTGCAACAAACCTAGGAAAATTTGCTGCGACAACCGAACCTGCTCATCT  
GAAAACAGATATTATGACAATATTTGAGGATCTTACACAAGATGATCAAGATTCTGTAAGATTGCTGGCTGTT  
GAGGGTTGTGCTGCTTTGGGCAAGTTATTGGAACCTCAAGATTGTGTTTTGCATATCCTTCCAGTTATCGTAAA  
CTTCTCTCANGATAAGTCTTGGCGTGTGCGTTATATGGTTGCAAACC

>trans\_c\_3669 NM\_100616|Arabidopsis thaliana SMO2-1 (STEROL 4-ALPHA-METHYL-OXIDASE 2-1);  
4-alpha-methyl-delta7-sterol-4alpha-methyl oxidase/ C-4 methylsterol oxidase (SMO2-1) mRNA,  
complete cds

TGCTCAACCATGAACGGAGAGAGATTTTTGAGAGAGTGAGAGCGATCCACCTGGAAATTGAAGAAAAAGGC  
AAGTTTAGAGAGATTATAATAAATCGTAAACCATAAACCCATAGATTCTTTGTTCTTCTTCCCTCTCTTACCT  
GTATTGTCTCCTTCTCCATTCTTCTCCATTTTCTTCCCATCATTCATGGCTGCGCTTCTTGAATCTGCCTGGCAGT  
ATCTAACACAAATTTCAAGTATTTCAACTCGCTTGATTGGAAGCTTCATCATCCATGAAAGTGTTCCTTCT  
TATCTGGACTTCCCTTTATACTTTTGAAAGAGCAGGATGGCTGAGCAAGTACAAGATCCAGGCTAAGAATAA  
CAGTCCTGCTGCTCAAGGAAAATGTATTTACGCCTACTACTCTATCATTTTGGTGTTAACCTTCCAGTTATGCT  
TGTTTCTTATCCTGTCTTCAAGCGTATGGGCATGAGAAGCACCTTCCATTGCCATCCTGGAAAGTAGTTTTCG  
GCCAGATAATATTCTACTTTATTATTGAGGACTTTGTTTTCTACTGGGGGCATAGAATTCGCACACCAAATGG  
CTGTACAAGAATGTCCACAGCGTCCATCACGAATATGCTACACCTTTCGGACTAACATCTGAATACGCTCATCC  
GGCTGAGATCCTGTTCTTGGATTGCTACCATCGTCGGTCTGCTCTTACTGGTCCCCATCTATTTACCCTGTG  
GTTATGGATGGTGGTTAGAGTGCTGGAGACAGTTGAGGCTCATTGTGGTTACCATTTTCTTGGAGCCCTTCA  
ACTTCATACCTTTGTATGGGGGTGCTTATTTTC

>trans\_c\_3670 AY079118|Arabidopsis thaliana AT3g10250/F14P13\_15 mRNA, complete cds

ACACAACTCCAAATCAAAATCCCTTCTCCATTTTCCCTCAATTTCTTCTCTCAATCAAAACCTTCCCTCCAATT  
TCTTCTCTCCTTCTTCAATCCGATTGAGCGCAATGCTCTTGCATCTGAAAGTTATATGGTTTCGTCAATCAACTT  
GTATTTGGTGCATTGAACTGCTTTCCTTAGTCCCATACCATCGCCGGTAATTTGCATTGAGATCCTGTAGTGGA  
GGAACAGTGCTGGATAGTCTTTAAGAATGTCAAGTGGATCGATGAGAAGAGTCTCACGTCAAGATATTCAGTT  
GGTGCAAAATCTTATTGAACGATGCCTTCAGCTATACATGAACCAAAAGGAAGTTGTGGAGACACTGCTGAAT  
CAAGCTAAAATTGAGCCTGGATTACAGAATTGTTTGGCAAAAACCTTGAAGAAGAGAATCGTGAATTCCTTCA  
GGGAGTATTATCTGAGATTAATGGTGAAGCGTCAGATAGTTGAATTCAACAGGTTGCTTGAGCAACAAGTTG  
GATGATGCAAAATACAGGAACTGGAGCCACTCCATTACCTACTTCGAATGGATCGCTGGTCCAACAAATGCAC  
CAGAATCCAACATATTCATCTTCACTAAAGCAGAATAACGTGCAGCATCCTTTTGGTAACAGCATGCCTAA  
CAATGCATATCTCAACGGTGCTGTGTCATTGCATTCAAGAATGCATCCAACAGTTGACATGTCTGCGCATCCAA  
GTAGGATTGAAGCACCACTGCTATACTACCAACCCAAAGCTCAAACATAGGGGTTGAATGGGAGGACAATA  
AAATCTGAAGCTGGATATTCAGGCAATTCCTCTTATAT

>trans\_c\_3671 X97314|M.sativa mRNA for cdc2 kinase homologue, cdc2MsC

AAAGAAGGGAAAGGAAAAACCTCCATCTTTATCCCACACCCTTTCTTTTTCTTTCTTCTCCCATTTTTGCTG  
CTCCGGCACCACGCTCCGATCACCTCCTCGCCGCTGCCTTTTCTTTCTTCTTTCTTTAACTATCCCTGTTTC  
GACCTCACGCCCAACTCTGTGGGTGAATCTTTGGTGCCAAGGCTGCCATAGGGCTCGCCTCTCCTCGCTCAT  
CTGTCTTCTTCTCCTCTTCTGCGTACGGAGCTTCTCAATACCATCTTTATTCTCCAGCTTTTGGCTACTCCCTTCA  
CTCCTAACTTCGATTCCCAATTCAGTCAAGTTTACATGGCTAGAGAATTGAAAACAGGGGAAATTGTTGCCCTG  
AAGAAAATAAGAATGGATAATGAGAGGGAGGGGTTCCCTATTACTGCAATACGAGAAATCAAAATTTTAAAG  
AAGCTTCATCATGAAAATGTAATCAAGTTGAAAGAGATCGTGACATCTCCAGGTCCTGAGAAGGATGAACAA  
GGGAAGCCAGATGGTAACAAGTACAAAGGGGGAATCTACATGGTTTTCGAGTACATGGACCATGATTGACT  
GGCCTGGCTGATCGTCCAGGGATGAGATTTTCAGTTCCTCAAATCAAGTGTTACATGAGGCAGCTTCTCACAG  
GGCTTCACTATTGTCATGTAAATCAAGTACTCCATAGAGACATAAAAGGGTCAAATCTGCTTATTGACAACGA  
AGGAAATCTGAAGCTTGAGATTTTGGGCTTGCCAGATCATTTTCTAATGATCACAATGCAAATCTAACAAATC  
GTGTCATTACCTTATGGTACAGACCGCCTGATAACG

>trans\_c\_3672 Novel Gene

ATATATTATCAAGTTTTCGTTGTTGGCAGTCCTTTCTTGAAGACTAGGGTTTTGGTGCAGCTCCTCCCTCTCAAC  
TTTCGAAGCCCTCGCCGAAACCGTTCTCTGCAAAACATGGGGAAAAACAAGAGGTATGGGAGCTGGGCGCAA  
GCTGAAGTCCCACCGTAGAAGGCAAAGGTGGGCTGACAAAGCTTACAAGAAATCTCACCTTGGCAATGAATG  
GAAGAAGCCATTTGCCGGTTCTTCTCATGCCAAAGGCATCGTCTTGAAAAAGATAGGTATTGAGGCTAAGCAG  
CCAAATTCTGCCATTAGAAAGTGTGCCAGGGTTCAACTCATCAAAATGGAAAGAAGATTGCCGCATTCGTGC  
CCAATGATGGTTGCTTGAACCTACATTGAAGAAAATGACGAAGTGTTGATTGCCGGATTTGGTCGTAAAGGACA  
TGCCGTCGGAGATATCTGGTGTTGATTCAAGGTTGTGAAGGTGTCAGGTGTGTCTCTCCTCGCTCTTTTCA  
AGGAGAAGAAGGAGAAGCCAAGGTCTTAAGTTTGCTTGGCAGAGTTTATCATCTTCTTACAGTTTTCTATCGA  
TAATTTTAGAGTATTTTGAAGTTCTTGATTATTGGGTTGTTTTGGACTATATGTAGTTATTGCCTCCCTCCTCGCT  
GTCTTATTTTTGAAATCGTTTGATCGAGTTCCTTCCATTTTGATCTGAAAACCTTGTCTTGTTTATTAAGAGATAT  
CAACAACCATGTTTTTGAACGAGTTCCTTTCATAGTACTGTCATTCCCAGGCTAGAAGTACTCTTTTAAGAAGTTA  
TAATTTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3673 GQ853548|Citrus sinensis cultivar Pera cyclophilin (CYP) mRNA, complete cds

ATATCGGTCTTCTTCTACGATAAGAGATTTCGGAACTCAGAGAAACAATCCAAAAATGCCAAACCCTAAAGTTT  
TCTTCGACATGTCTATCGGCGCGCACCGGCCGGCGGATCGTGATGGAGCTCTACGCCGATGTCACTCCTCG  
CACCGCCGAGAACTTTCGTGCACTCTGCACTGGTGAGAAGGGAGTCGGCAGAAGCGGCAAACCCCTTCATTA  
CAAAGGATCGTCATTCCACCGTGTGATCCCTAATTTTCATGTGCCAGGGAGGCGATTTACCGCCGGAAATGGT  
ACTGGAGGTGAGTCAATCTACGGAGCCAAGTTCGCCGATGAGAACTTCATCAAGAAGCACACCGGACCTGGT  
ATTCTATCCATGGCGAATGCTGGACCTGGAACCAACGGATCTCAGTTCCTTATTGACCGCTAAGACCGATTG  
GCTCGATGGGAAGCACGTTGTGTTCCGTCAAGTCGTTGAAGGTATGGATGTGGTAAAAGCCGTCGAGAAAAGT  
GGGTTGAGCTCTGGAAGGACCTCGAAACCGGTTGTCATTGCTGATTGTGGCCAGCTCTCTTAGATTAGCAGA  
TGCTAGCTCCATCGCCGTCGTCTGCTCCGCGCAAATCGTATCTATGATCAATTTCTATTGCGTGTGTTGTTTT  
TAACTTCTGCGAATATGGGTCTGTGTGAGTCTCCTTTTTTAGGCTATTATGGGTCATGGGTTTATGCTACTTCAT  
GAGTTAATATGCATCTGCCCTGTAAATGGCGGTTTTGCAATGGATTATTAATAATACATGGCTGTCTTAACT  
CAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3674 NM\_179023|Arabidopsis thaliana CNX7; catalytic (CNX7) mRNA, complete cds

ACATCTTCGCTAATCGCTATCACATCCTTTCTTCTTCACTCTCATCTCATCTGAACCCTAGCTTCGATCTTCCTC  
GTCGACGAGGGCTTTTGGACCAACACTTCTTCTTACCCGCCTTTCTTGTTGTTGAGCTCTCTACTGGCCGCAAA



ATTTAGGACATGAAAGCCATGAAAGAACAGGAAGATGGATTTGGATCTGCAGATAGGTATGGTGAGGATAA  
AGTAGAGCAACTGGTTCAAATCAAGACCTTGTTTTTGGCTAGAGCTCGAGATCTGACAGGTACGAATGATGTT  
TTATTGGAGATCCCTTTAGGTAGTACTACAAAGGATTGTCTGGACAAGATTGTAGGCAAATTTCCAAGGCTAG  
AGGAGATCCTTGGATGTGTGGTTCTGGCTCTGAATGAGGATTATACAACTGAGTCAACAGTTGTTAAAGATGG  
AGATGAGTTGGCAATTATCCCTCCCATAAGTGGTGGCTGACCTTTCTTCTGCTACTATTTTATACTGATATGTAT  
ATATATATATACATATATTTGGTGCCATTTCCAAATGTGGACTTCGTAAACCAATAGGAACATTGAGCTCCTTCC  
CCAAGTGTGTAGAAAATTAACTTGCTCTCCTACCTTTTCTAATGTCTTAGTAAAGCTTTGCTTGTTTCATCCATG  
GCTATGGAATTTTCAGCCACAGGCCTCTGTCAAAGTATCCCTACACTCGCTCTCCGCTCCTCTTTCCATTCGC  
AAGGCTCGAGTTCAAAGCTGTGTAGCCATTGAGTTTGTCTGCTGAATCGGGAATCCTCTGCAAGGAGGAAGAT  
AAGGATTGTATTTTCATTTACATTGCCTAGAAAAGAA

>trans\_c\_3675 NM\_101188|Arabidopsis thaliana DIS1 (DISTORTED TRICHOMES 1); ATP binding /  
actin binding / protein binding / structural constituent of cytoskeleton (DIS1) mRNA, complete cds

TGACTCTCTTTGTCCAACAGCTCATAAAGGAAAGAGGAGAAAATGTACCACCTGAGGACTCTTTGAAGTGGC  
CCGAAAAGTGAAGGAAATGTATTGCTATACCTGTTCTGACATTGTCAAGGAGTTCAATAAGCATGATAAGGAG  
CCAGGCAAGTATCTGAAGCACTGGAAGGGTATTAAACCCAAGACTGGCGCACCATTCTTGTGATATTGGCT  
ATGAGCGATTCTTGCCCGGAGGTGTTCTTCAATCCTGAAATTTATAGCAGCGAGTTTACCACCCCTTTGCCT  
GCTGTAATAGACAGGTGTATTCAATCTGCTCCAATTGATACCAGAAGAGCGTTGTACAAGAATATAGTACTAT  
CTGGAGGTTCAACAATGTTCAAGGACTTCATAGGAGGTTACAAAGAGACTTGAAGAAAATCGTGGACGCTC  
GAATCCTTGCCTCTGAAGCTAGATTAGGAGGAGAAATAAAGTCGCATCCAGTGGAAGTCAATGTTGTAAGCC  
ATCCCATCCAGAGATTTGCCGTCTGGTTTGGAGGCTCCGTTCTTGCATCAACTCCCGAGTTTTTGGCGTTGT  
ATACAAAAGCGGAATATGAGGAGTACGGTGCAAGCATATGCCGCACGAATCCTGTTTTCAAAGGAATGTACT  
GATGCAAAGATCCTTGAGCTTTTTGACCTTTGGGTGGGTAGTATAGTCCCTGACTTGTGTTGGATCAGATGCTT  
TGCCGTTTTCCCTTGAGCGTGCACCTCGGTTGATTGCTATTCTTGCAGCCTTTGGTAGAGGAGAGGGGTGTA  
CATGGGTGATGTAAAATATGATCATTTTGTGTAAAATTTGTACGAA

>trans\_c\_3676 AY109778|Zea mays CL3683\_1 mRNA sequence

ATCCTCCATCCATCCATCTTCTTTCTTCCGTTACGGAGAGATATCGAGAAAGCTCCATTGAAATGGAAGAGAGT  
AGCAGAGCCACCGTAATCCGCCAGCTGCACAACGCGAAGTGCTCATCGGGAAAATCTTACAACCAGATAGCA  
CAAGAGACTGGCCTACTAACGTCTATGTCGCTCAACTTCTCCGCCGCAAGCCCAGCTTAAGCCTGATACTGT  
CCCTAAGTTGAGGTCCGCCTTGCCTCAACTCACCGATGATCATATTCAACAGATGATGCGGCCGCCAATGAGG  
TCTTACGATCCTTGTGTTGATTCAAGAACCCACAGTTTACAGATTAAACGAAGCAGTTATGCATTTTGGCGAGAG  
TATTAAGGAAATTATTAATGAGGAGTTTGGCGATGGAATCATGTGAGCCATAGACTTCTACTGCTCAGTTGAC  
AAGGTCCAGGTGTTGATGGGAAGGATCGTGTCTGATTACATTGATGGTAAATATTTGCCCTACACTGAGC  
AGAAGGTAGAGCACATGGCTTCCAAACAACCGATGCAGGAAAGCTGAACAAGATTCTAAAGCTGGAATCTGT  
ATTGTAATTGCTTTACATCGTTTCATCTGAAAATCTTGTATGATTAAATGTGAAGCTGCATGTTTTAGAGTATGAA  
AGCCGTGCGTCCATGTTCTTTGGCTTCTAAGTGTTTGTATGTGATCGAGTCATGACCAAGTTTGGCCCAAGTA  
ATTTTCAGGGCTGCTTGTGGTCGGTGAATAACATGTCTTTCAGCATCTTTATTTACGTTGTTAGCTCCATAAATT  
GATTGTTTATCAGGACATAAGACATGCAATTGTCTCTTCTA

>trans\_c\_3677 NM\_180879|Arabidopsis thaliana PHOT2 (PHOTOTROPIN 2); FMN binding / blue  
light photoreceptor/ kinase/ protein serine/threonine kinase (PHOT2) mRNA, complete cds

ACACGTTTGTGTTGATAACAGACTTCTGCCCTGGTGGGGAGTTATTTGCATTGCTTGATAAGCAACCAATGAAAA  
TGTTTAAAGAGGATTCTGCAAGGTTCTATGCGGCAGAGGTTGTCGTTGGCTTGAATATCTTCACTGTCTAGG

AATCATTTACCGGGATCTGAAGCCTGAAAATATTCTTCTCCAGAAAGATGGCCACGTTACCCTTGCTGACTTTG  
ATTTATCACTTGTGACATCCTGCAAACCGCAGATTGTGAAGTACCCATTGCCTCAAGGTAAAAGGAGATCTCG  
AAGTCAACCACCACCAGTATTTGTCGCACAGCCGATCACACAATCTAATTCTTTGTTGGAAGTGAAGAGTATA  
TTGCTCCTGAAATTATAACACGGGAAGGCCACAGCAGCTCTATCGATTGGTGGCCTCTTGGTATATTGTTGTAT  
GAGATGCTTTATGGTCGCACACCTTTCAGGGGAAAAGAACAGGCAGAAGACTTTTGGTAACATCTTGCACAAA  
GATCTCACCTTCCCAAGTAGCATTCAAGTAAGTCTTGCAGCAAGGCAGTTGATCAATGCATTGCTACAGAGAG  
ACCCTGCCAGACGTTTAGGATCAAGTACAGGTGCAAATGAAATCAAACAGCACCCCTTTTTCCAATCAATTAAC  
TGGCCACTGATCCGGTGTATGGTCCCGCCACCATTAGAATCACCTCTTCACTTACTGGAAAAGATGGAACAA  
CCAAGTCTGTAACTGGGAAGATGATGGTGTGCTTTACTCAATGGATGTGGATTTTTTCTGAAGGTTCTACCA  
GAATAACTCAAACATGCATTGACGTGGTTTAGTTTTACCTGT

>trans\_c\_3678 AY106586|Zea mays PCO088725 mRNA sequence

TCCTCAGTTGGTTCCTGCTTGGCTAGGCTGTTTGCCTATCAAAGGAGATTTAATTGAAGCAAAGTTGGTGCATG  
ATCAGCTTTGTTCAATGGTTGAAAGGTCTGATAAAGAACTCTTAGGTCCGAACAATCAATATCTTCCAAAATT  
GTTTCCATTTTTGCTGAGGTTCTATGTGCGGGTAAGGATCTTGCAACGGAGCAAACCTGCCAGTAGAATGGTAA  
ACCTTTTGAGGCAGCTTCAGCAAACCTCTACCACCGTCCACACTTGCATCAACCTGGTCGTCTTGAACCGCAA  
CAGCAGCTTGCACTTCAATCAATCCTGTCGTCTTAGTGTAATTGGAATTGGCAAGACAGATCATATTGTGTCAG  
ATCCTGAGTTGGTTAACATCTCTTGAATGGGTTGGTTGGCTGTGTGTTTTGTGGTATTTTTGAAGCGTTTTAG  
CCCGATAATGTCATCATCTCATCCCTTTGCATTACGAAGCACAGCAGTCATCCCTGAAGAAATCTGCTGCTG  
CTGCTGCGGCATTGGCGTGCCTGTTTTCTGATCCTGTCTCATAATGTATTATTTATTTTTATGCGCTTGTTT  
AAAGCATCGATTTTGCATGGTCCAAAGGCGACAAGAAAGAGTTGGTTATAGTTTGTGTGTATAGTACAAAATT  
ATTGGTGAAGTAGAGTCCCTACCCCTCAGAAAAAAGAGTGAAGCAAGCAAAAAATAATGTCGAGTGGTTAA  
TTGTTATTTGAGGCTTTGAAGTTTGGAAAAGTTGAGGTCAAAGCGTGTCATTGAAACAAAGAACGGGTAAG  
TTTTGGTATTTGATTCTTTAAATCTTCAGTATGATTAT

>trans\_c\_3679 BT008833|Arabidopsis thaliana At5g15880 mRNA, complete cds

CTTCAAGATTTCAACCTATTGCCCAACCGACGGAGAGGATCAATAGCCAAAAATGGCCGGTCTGCTCTCATGG  
GCAGCGGACGTCGTCGCCGGCGGTGGCGGCGCCAACCACAACGACGAACGTAGCACTTCGATTCCCTTATTT  
TTACTCCGGAGCAGCAGAATTACGTTGAGAATTGAATCAGAAAGCAGCTTCTCTCAGCCGCTCGGTCCGCGA  
TCTGCGCTCCGATTGCCTCCTCCGACATCTCCAACGCCTTCCCATCTTCATGCTCACTCTCTTGCTTCAACG  
GCCGATCTTACTCTTCAATTGAACGCCCACTCTTCCACTCGAGAACAGGTCCAATTGAGAGAGATATCACTACA  
GGAAGAAAATGTTGCATATGGAAGGCCATTTCAAATTGTGAAAATAAAATACAGGAAAAGAGGCAGGAAG  
CAGATTTGCTTCTGAGGAAGTTAGAGGAGTTAGAAGAAACCACCAAGAATCTGGAAGTTCAGCTAGAAAACG  
AACAAGCAGCTCTGGAAAATGATGAATCCACCAACTTCGGAAAATTGACATCCAAACCTTCTAAAGTTGAAGC  
AGAACAAGATATGGAATTATCAAAGTCTGCGTTGCTAGAAAACTAGATATCAAGAAACAAGAACTGAGTTC  
AATGGAAGATACGATTAAAGAATTAGAAAAAAGTGGGCAGAAATTCAGGATAAAGCTCTAAACAGCCTTC  
ACCGATTACAGAGAGAGAAAATGTTAGACAAACAACCTCCATAGCCTCATGGAGCAGCTAGCTGTAAACAGGC  
ACAAGCCCGAGGGTTTGGGCAGTGACATTCATCTGAACGAGATGGAGC

>trans\_c\_3680 BT025539|Arabidopsis thaliana At4g03180 mRNA, complete cds

CTTTTCTTCTCTTTTTCTTCTTCTATTTCTTCTCGTTTTTGACCTAATTCTTCTCAAATCTTTCATTCTCTCTCT  
CCAACACAATGAAGAATCCAATGGAAAACACGAACATAAGAATCGCTCCAAATCGAAATTCATGAACACCAA  
CAAACACAATAACATTAAACGATTGGGAGGGAAGGCCCTTTCGTTGAGGCATTGCGGAACGCTAAATCAACT  
ACCGATTACTATAATCCAGCTTTGATAAAAAAGCAAAGAGAGTTCTATAAGAATGCCAAACATGTCAACAAGT

ATAAGAAGTTAGTAAAGCATCAGAATCAACAGAATGAGAGGCCTTCTAGCTCTACTGTTGGACTTGTGCGAGG  
GTGAAAATGAAACCAATTGAGAATCAGACGAACGGTAGATGTGGTAAAGAAAGGAATAAAGGTGTACCT  
AGTCTTCAGGCACTGTATGAGAGAAAGCATGAAGAGAAAGAGAAAGCAAGAATGGAGAAAGAAGCCATTAT  
CGCTGCGAAAAAGGAAGAACGAGAAAGGGCTAAGGCTAGACGAACTCCACAAGAGAAAAAATGTTCAAAA  
GGACACAAAAAGGTCAGCCAGTTATGAAGTACAGAATTGAGCATCTTTGGAGACCATTGGAGCCTCAACGA  
ACCACTAAGGCCTTTTGTGTTTTCACTGAATTTGTAGAAGAATTTTTGTCCCTTAGGAAATGTATATTATA  
TTCTCTGTACCTTTTTAGTTTGCTTCATTATACAATCAAACGATCCCAGGGTATTACAATTTTAAGCTAATCTA  
AATCATCCATTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAA

>trans\_c\_3681 NM\_180174|Arabidopsis thaliana zinc ion binding (AT3G02860) mRNA, complete cds

TAGTTGGGAGAAAAAAAAACTCATAATAAAGAAGAGGAAATAGTGAAAAGAGGAGAAAAAAAAAGGAATTCT  
AGCCTTCACCTTCTTCCCCTCTCCCTCGAACCGCCGCCGATCCTACCCTTTCTCAATCTTTTTCTCCGGCGACA  
CTTCAGCAGCCACAGGCGTTAGGCAGTGACGACGGTAGCCTAAATCCACGGTGGTCCACGTTACCCACGAAT  
CTGACTTGCTTTGTGAGCCCGACGTCGAACGGCTTGCCTAGACTCTCGTGGTATCGTATTTCTCCGTTTGAG  
CATCCGGCGTGAACAACAAATTGTGCATCACGTTTTGACGACTCGGCGTGTGTTGCAGCAAAGTTTTAGCTTG  
GGGGTCTGTAAGAAGGAAGAAAGAAGGCCAAAATGGATGCTCAAGCCAAGAGAAAGGCATTGTTTCGTGCT  
AAATTGAACGCCCAAAGAAGGATAAGCGCATTGATTCTCCTCTCGTCAGGTACAATGAATTGGACCAACCTG  
TCTGTAGGGTTTGCGACATGGTCTTGAAATCAGAAGTTTACTGGGATGCTCACCAATCTTCTCGCAGACATCAT  
GAGGCAATACAAAATCTCAAAGCCAGTGCAGCAGGCAGGTCTGGAGTTGAAAATATTAAAGCCGAGGCCCAT  
GCTGAACTTCTAATAACAGATCATTAGATTCAAAGAAAGAAATGACTGGGACAGCGTCAGAGTTACCAAAAC  
GTCCGTCATCATCTGTGCTTCCTTCAGATTTTTTCGACCAGAATGCCAAAAGGCTTAAACTGGAAAGGATATT  
GTAAGTGAATCNACGTAGTGGTAGCATTGCACAGTCAGAGGTGA

>trans\_c\_3682 NM\_148698|Arabidopsis thaliana legume lectin family protein (AT3G09035) mRNA, complete cds

AACACCCAATGTCTATATTCTTTACTTTCTTCTTCAGCTTTCCATCTATCTTCAAACCCTAGTGAACCAATAAAT  
CAATACAAACAACTTGCAGAAAAAAAAATAATAATAAAGGAAAAAGCTTCATTCTCAGTTGAAGAACATGTTT  
TACTCCACAATCCAAAGCAACCACACTAATCTCCTTAACCCACAAATCATCTCCTTCAACTTCTCACACACTTCA  
TTCATGGCCGCTTTCATTTCTTAACCTTTCCCCTCTCCCATCATTTCCATCTTCTTATTCTTCTCCTCTTCTTC  
AAATCTATCCATTCTCTTCGTCTCCCTCATTTTCCCTTCTGGGTTTCATGGAGATCCGCAGTTTGAGCTGAATG  
TTGCTCTGTACGGCGGTGCGGCTGTTGTGCGGCGGCGGTGCTCTCCAGCTTGCCAGTTCTAGCGGTGGACGAAT  
CATTTACAAGAAACCCATCAGGCTTCTTCGAGGTAAACCGAGGAGATTGATGTCTTCTCTACAGATTTCTCGT  
TTTCTTTATCTCAAATTCAGGGGAGAATGGATTGGGGTTTGTTATTGTTCTAGTAGTTTCAATGTTAGTAGTT  
TTGGTGATGGACCATTTGGGTTTCACTTTGGATCGGAGATGAAACAGAAGTTAAATATGATCCTTGTTAAGTTT  
ACTACTTCTTCTGATGCTGAAAATGGTGATCTGATTAAACTTTGGTGGGAATTGATGTGGGTTATAAGAGTA  
ATAAATCATTAGCGGATTCAGGCAATTTTTCAAACAGTTCGTGGGCGTCAATTAGAGGGAAGAATTTACACGC  
TTGGATAGATTACGAGGTGGGTTCTAGG

>trans\_c\_3683 AL161589|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 85

CACGACGGCCAACTCTTTAACCATGAACGCACACAGCTCTCTCTTTATCTCTCTACTTGCTCACTGAACATTG  
CCATTTACCATATAATTCAAAGATGAGAAATCTGAGATTTTTTCTTCTCATTCTCTAGGATTCGTAGAACCTTC  
GCTCAAAACCTTCTCCGTTTCTCCGTCCACTCGTCACATAAATCTTCTGGGTTGGAACTTTTGCATCGTCG  
TCATCGGTGAACCATCGGAATTACACCACTGCTTACCCGAATCAAGACCAGCTCCTTCTGAGAGAGTTTCGGC

CATTGTGGATGAGATCTCTGGTCTCACGCTACTCGAGGTTGCGGACCTCACGGAGGTTCTTCGGGAAAAATTG  
GATGTGAAGGAGATGCCGGTAATGACAATAATGATGCCTGGGACGGGGTTCCGGTGCGTTCAAGGTGCCGG  
TAAAGGTGGTCTGGAGCGAAAGGCGGTGAGGAGAAAAAGGAGGAGAAGACGGCGTTTCGATGTGAAGCTT  
GAAGCTTTTGATGCTGCGTCCAAGATCAAGATCATTAAAGGAAGTGCGGACGTTTACGAGTTTGGGGTTGAAG  
GAGGCTAAGGATTTGGTGGAGAAAGCGCCTACGCTTTTGAAGAAGGGGGTGACTAAAGAGGAAGCTGAAAC  
CATTATTGCCAAGATGAAGGAGGTTGGCGCCAAAGTTTCAATGGAGTGAGGATGCTGCAGAAAATACCAATC  
TTTTATGGCAATTTTCAAGTCAGGGCAGCAGTTGAAGATATATGGTTGTCTTGAAATTCATGTGGGATGGTTG  
AGGACATGGGATTGTTTGGTTCNTCAAATATATGGAGCATTCTT

>trans\_c\_3684 NM\_001048612 | *Oryza sativa Japonica Group* Os01g0158400 (Os01g0158400)  
mRNA, complete cds

ATTGACTTTAAAATTACGAAATGGGATCGGGGTGGTCGGAAGAGCAGGCTGCGCAGCCGCAGCCGCAGCAG  
CAGCCAGCCGCTGCCAATGCCGCTGTAAGAAGCAACGAGCACAGCAGTGGCAACTCGAGTGATAATAATTTG  
AAGGAAGAAAAAGAGAAGGTGGTGAAAGGGAAATTAGAAGAAGAAATGAAGTTGGGTCATGGCTTTGAAG  
ATATTTTGAATATGCAGACTTGCCAGTGGATAGATCCTCCCTGGAAAAGCTTCATGAACAACTCTATGTTGGT  
ATCTTCTGAACAAACGAACTAAGAAATATTGGTTAGATAAGAAGTTGAAGAGTAACTGTTTCATGCTATTTCC  
AAGAGCTCTCTCAATAACTTGGGCTGAAGAGAATAAGTATTGGAGATGGAGACCCTTGCAAGACTCCAGTAA  
TACGATTGAAGTCGTGGAGCTTATGAATGTATGCTGGCTCGAAATCCATGGGAAGATGAAGACATGTGAGCT  
CTCACCCGGAATTTGTTATGAAGCAGCATTGAAGTAATGATAAAAGACCCAGCCTATGGATGGGATATTCCG  
GTCAACATTTCGAGTTAAAAAGCCAGATGGGAGCAAGCAAGAGCATCAAGAAAATTTAGAGCAGAGGCCTCG  
AGGGAGGTGGTTCGAGATTCCAATAGGCAATTTATTGTTCTGATCATGAGAGGGGAGGGGAGATTGAGTT  
CTGCATGTTTGAATATGAAGGAGGGATGTGGAAGAAAGGGATGGTCCTAAAAGGTGTTGTGATTTCGATCAAA  
GGGGTAAATATGGATTGCACTATAAGCTTTATGTTGCACACAACTCTAAACTAT

>trans\_c\_3685 NM\_179714 | *Arabidopsis thaliana* TET8 (TETRASPANIN8) (TET8) mRNA, complete cds

ATTCTCCTTTCTCACTCATTTTCCGTTTCTGGGTTCTCCTCTGTTTTCTTATTCCAATATCATGGTGAAACTCA  
GCAATAATCTCGTCGGGATTCTCAATTTCACTTTTCTCTCTATCCCCATCATCGCTGGTGGGATATGGC  
TCAGCCGACAAGGTACATCCGATTGTGAGAAATTTCTCGACACCCCGTAATCGTCATCGGTGTTTTCTTCTA  
CTTGCTCACTCGCGGGTTTCATCGGCGCGTGTTGTGCGGTGAGATGGCTTCTCTGGATCTACTTTTCTGTTAT  
GTTCTTCTCATCTTCTTCTCTTCTCGTCTTACCATCTTGCCTTCGCCGTCACCAACAAAGGCGCCGAAAAGT  
TCTTTCGAACAGAGGATATAAAGAGTACAGACTCGGTGATTACTCCAAGTGGCTACAGAATCGCGTCAGGAAC  
AACAAAGATTGGAACAGAATCAGAAGCTGTTTAGTCGACGGCAAGGTCTGTGCCGAATTCACCCAGACATTC  
GCTTCTGAAACCGTTGAGCAATTCTACCAAGAACAATTATCTTCAATTCAGGTACGATTTAATTCGCTTAAAAG  
GAGGATTCAAGTTCTAATTTAAATTTAAGTAAACCACCCCATAAATAATTCATAAGTAACGAGAGTTTCTGTG  
TGAATTTTCTGTAGTCTGGGTGTTGCAAACCGGCAGATGAGTGTAATTTACGTACAAGACACCGACTCAGTG  
GGATAAACCGGCAAATGTTTCAAGTTTTTCAATCCGGACTGTGGTTTGTGGGATAATAGACCCTGAAAGCTG  
TGCTTCGATTGTGAATCCCTGCAAGGTGGAGTCTT

>trans\_c\_3686 AF404770 | *Elaeis oleifera* 40S ribosomal protein S15 (rps15) mRNA, complete cds

ATCCTTGCAGATTCTGAAGCTTCTAGCGCCGATTAGGTCTATACCTTCTCATCCCGGAGATCCGAAGACGTTA  
ACCATGGCGGATGTGGAAGCCGATGTTCCAGTTGCTGGACAACAGCCAAAGAAAAGGACGTTCAAAAAATTT  
AGCTTCCGTGGTGTGATTTGGATGCTTGTCTGACATGTCCACCGATGAGCTTGTTAAGCTCTTCACTGCCCCG  
TGCTCGCAGAAGGTTTCGTAGGGGTTTGACAAGGAAGCCAATGGCCCTTATCAAGAAGCTCCGCAAAGCGAA  
AAGGGAAGCACCTCCCGGTGAGAAGCCAGAGCCCGTCCGAACTCACCTTAGGAATATGATCATTGTGCCGGA

GATGATAGGAAGCATTATTGGTGTTTACAACGGGAAAACCTTCAACCAAGTTGAAATCAAGCCAGAGATGAT  
CGGCCATTACCTAGCAGAGTTCTCCATTTCATACAAGCCAGTCAAGCACGGTAGGCCAGGTATTGGTGCTACC  
CACTCTTCAAGGTTCACTCTCTCAAGTGAAAATCAGAGTCAACTTGTCTTGCTTGCTTAGTTTTGTTATATTTCT  
CTACAAGAACTTGAATGTTGATCAGATTTTGTCTTAGTTTTGCCCCATTTTCTATATGCTTGATATCTGATTA  
GTACGATGGAGGCTGGAGGTATTAGTTTTTCGAAGCTGTACTGTATAAAATTTAATTCTACTTGTTTCAACTA  
AATGTAGACTCGGCTGCTTCGTAGTTTTGTTTTAGTTTTACAAAATGTTATGTATCACCAATTTTCTATATTTAC  
TTTTTTTTTAAAGTCTGGATGGATGGTCTATNCAATG

>trans\_c\_3687 NM\_103032|Arabidopsis thaliana PRPL11 (PLASTID RIBOSOMAL PROTEIN L11);  
structural constituent of ribosome (PRPL11) mRNA, complete cds

GGGGTTTATCCGGAAAGAATTGTGAGAGCTCTTGTGTTTGGTTTGCTTATCTATGGCGTCTTCCCTCTCCAC  
CTATCATCAACACCATCTTCTTCTCCTTCATTTTCTCCAAAATTTCTGCCAATTCACCATCTTCTCTCCATT  
TCTTACTTCATCCTCTTCTGGGTGTCTTCAAAGTTCATTTCTCTCTTCGGTTTTCTACCAATGGCCAATCTTCT  
CCCTTATCTCTCACACTCCGAGACGTCTCAGTGTTGTTCAATGGCCCCTCTAAAGCCAAGCCTGGTGAAAA  
GCCAAGAAGGTAATTGGGATGATAAAGCTTGCTTGGAGGCTGGAAAGGCTACCCAGCTCCTCTGTAGGC  
CCTGCTCTCGTTCCAAGGTGTTAATTATGGCCTTCTGTAAGGATTACAATGCCAAGACAGCCGATAAGG  
CCGGCTATGTTATTCCAGTTGAAATTACTGTTACGATGATAAAAGTTTTACTTTCGTGTTGAAGACTCCACCTG  
CTTCAGTTCTTCTCCTCAAGGCTGCTGGAGTCGAAAAAGGATCAAAAGATCCAAAGGGAGAAAAAGTGGGAA  
AGGTAACCATTGAACAGTTGCGTGCGATTGCGGCAGAAAAGTTACCAGATTTGAATTGCACGACCATTGAATC  
TGCAATGAGAATCATAGCAGGTACAGCAGCCAATATGGGAAATGAAGGTGACCCTCCTGTCCTGAACCTAA  
ACAGAAGGCAGTTGTGTAGTCATTTGTGATCAATCCCTCTATTCTTCACTTTTTTTTTGTATGCTTTTATCTATT  
CCAGGTACCTTACCTTTAAAAAGATTTTACAAT

>trans\_c\_3688 AF420223|Carica papaya cell wall invertase mRNA, complete cds

AAGTCTAGATAAAGCGGAGCCATTTGATCCAAGATGGGTAGATGCACAAGCCGCATGTGATCAACTGGGTTT  
AAAGTCCCAAGGTGGAGTTGGGCCGTTTGGGCTTCTAACCTGGCTTCAGAAAACCTTGAGGAATCACTCCT  
GTATTCTTCAGGATCTTCAAGGCCCATCACAAGCACGTGGTTCTTATGTGCTCTGATGCCAGAAGCTCTTCTT  
GAAGGAAGATGGATTATACAAGCCAGCATTGCGGCTATGTCGACATCGATTTATCGAGTAAAAAGCTCTCA  
TTAAGATCTTTGATTGATCATTGCGGTGGTAGAAAGCTTGGAGGAGGAGGAAAAACATGCATAACTTCAAGG  
GTATATCCAACAAAGGGAGTGTTAATGATGCTCATTGCGATGTGTTCAACAATGGAACAGAGGCTATCACAG  
TAGAATATCTTAGTGCTTGGAGTATGAAAAGTGCTAGGGTGAATTAAGTCTTTAAATTAGAATCTTAATTAGA  
ATGTGTTTGTGTTGGCTTTTTTTGGGCTTTAAATTAGTAGGGAAAATGGAGGGTAGTGAGGGAGGCAGGTTA  
ATTTAGGTCGTAATGAGAGATGGCTGCTTTTCACCTTCTTACTTTTGTCTTGATGGATCTTGAATAAGAGTTG  
ATCTTGACCTTTTCGGTTGAGATTTATATCCCTCTTGTTAACTTGATTACTTATTTATTTAGCCCCATCCTTTG  
CAGAACATATTTGAAAATGATTGTAGTGATATGTTGATAAAAAAATGTCTTCACAAGACATGGTTTAATTTAAA  
AAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3689 GU732453|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D29)  
mRNA, complete cds

CTCCTCTAAACGACTGCCAAAACAGAGACACCACCTTCTCCTCCTCTTCTTTTCAATTTTCTAAATTCTCAATCA  
AATTTCAATCCATGGATTACTCTGTATTCTTCTCCCGTTTCCGATTTCTCATCCGAATCATCTTCGGTTCACC  
CGAATCCTCCTTCACCAATTTGGATCACAATTTTCTCCCTTCAATGAAAATGACTCAGAGGAAATGCTTCTTTA  
TGGCCTAATCTCCGAGGGGACATACGAATCCTCCGATACAGTATCGGAACCGTGCAAGTGAAGGAAGAGGA  
AGTCGATTCCATCGGAGAAGAAAGCCCAAAGAAAGAGAGGGCTTATAGAGGAGTTCGCCGCCGTCCATGGG

GGAAATTTGCGGCGGAGATTAGAGATTCCACTAGACATGGTATAAGGGTATGGTTGGGAACTTTCGATAGTG  
CCGAAGCCGCCGCTTTGGCTTACGATCAAGCTGCCTTTTCGATGAGGGGTGCTGCCGCAATTCTCAATTTTCCT  
GTCGACAGAGTTAGAGAGTCTCTCAAAGAGATGAACGGCGGCAGTGGCGGCAGCGGTAATAGTTTAGCCGA  
AAACGGTGGCTCTCCGGTGGTGGCGTTAAAAAGAAAACACTCAATTAGAAGGAAAGCCATAAATAAAAAAGAG  
CAAAGAGAGGGATGTGAGGATTCAAATGTGGTGGTTTTGGAAGATTTAGGGGCAGAGTATTTGGAAGAAC  
TTTTGGGATCTTCTCAAAGTGATAACCCCTTCTTGTTCTTTCTAAAATCAAATTATTATTATTATTATTATTTT  
TTTCTCTTTTTTATTTTCATCTCATTTGGGGATCTCTTAATTC

>trans\_c\_3690 AY780572|Tropaeolum majus delta-12 fatty acid desaturase mRNA, complete cds

TCTCAAATAAAGGAAAGAAAAGTTCCTCATAGAGAGAAAGAGAAAAATAAGGCTTCGTTGCCGGCGATCT  
GAAGGCGGCGGCCATTTCTCTCGGGAGAGAGAAAGAGAGAGATTGATAGAGCGGAGAGTTGAGGCTCTCT  
CAAATTCGGTCCTCTTCTCTTTCAGGACAATATCCTTTGGAAAAAATGGGTGCTGGAGGTGCAATGTCCT  
CTCCTTCATCTCTCAAGAAGTCAGATTCTGACCACTTGAAGCGAGTACCGTCCACAAAACCACCATTCACACTT  
GGTGAGCTCAAGAAAGCTATTCCACCACATTGCTTTCAACGTTCTGTCCTTCGTTCTTTCTCCTATGTCGTTTAT  
GATCTAACCTTAGCCTCTATCTTCTATTACGTTGCAACCACCTATTTCAAAGCCTTCCTAGCCTCTTATTTATC  
CAGCCTGGGCTTTGTAAGTGGGCTGCCAAGGCTGCGTCCTTACTGGCGTTTGGGTGATTGCCCATGAGTGTGG  
CCACCACGCCTTCAGTGATTACCAAGTGGCTCGATGACACCGTTGGCCTTATCCTCCACTCGTTTCTCATGGTCCC  
CTACTTCTCTTGAAATACAGCCACCGTCGACACCATTTCAACACCGGTTCTCTCGAACGTGATGAAGTCTTTG  
TACCTAAACAGAAATCCGCCATGAAATGGTACTCCACATACCTCAACAACCCAGTAGGCCGTGTCCTCACCCCTC  
ACCATCCAACCTGGTACTAGGGTGGCCTCTTACTTGGCCTTCAACGTCTCTGGCCGTCCCTATGACCGTTTCGC  
CTGCCACTACGACCATACGGTCCCATCTACTCTGAC

>trans\_c\_3691 HQ284165|Populus tremula x Populus alba lateral organ boundaries domain 1  
(LBD1) mRNA, complete cds

AAACGAAGCCCTCTCCGTTTCTTCTTCTTCTTCTCTCCTCCTCCTCCGTTCTTTGCTCCGATAATCGGAA  
AATGGAAGGAAGTGACTCACTCACAATCACCACCGTTTCTTCAACTCCACTATCCCAATCTCCTTCTTCTTCT  
TCTCCGGCACCAACCGCCGCCGTTATTCTCAGTCCATGTGCGGCCTGTAAGATTTGCGACGCCGATGTGCCGA  
GCGATGTGTATTGGCTCCCTATTTCCCTCCCACTGAACCGGCGAAGTTCGCCATCGCTCATCGAGTTTTTGGCG  
CCAGTAATATCATCAAATTCCTGCAGGAAGTGCCTGAATCTCAAAGGGCAGATGCAGTGAGCAGCTTGTTTA  
TGAAGCAAGTGCAAGGATTAGAGACCCTGTTTATGGGTGAGCAGGGGCCATTTGCCAACTCCAAAAGCAAGT  
CAATGAGCTTCAAGCCCACTAGCCAAAGCTCAGGCAGAGGTTGTCAACATGCAATGCCAACAAGCCAATCTT  
GTGGCCTTTGTTTGAGGGAATTGGCTCAATCTCATCAATCTTTTGATGAATTCATGGCAGCCCACATAATGG  
ATTATTACAGAGCATTAACTCCTCAAGTTACTTTGATGATAGCAATAATGTAACTCGTTGTGGGAACCCCTTT  
GGACATGAATTTTATTTAGTTTTTTAGGTTTGTGGATGTATGGTGTTCGATAAAATGCTCCAACGAAGTTTCTC  
CAAATCTCTTGAGAGCCAAATTTGAGGTTGTGGGAAGGAGAACTTTGTGGAAAAAATACAACAGAAATTTT  
AGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3692 NM\_127456|Arabidopsis thaliana TXND9 (THIOREDOXIN DOMAIN-CONTAINING  
PROTEIN 9 HOMOLOG) (TXND9) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTCTTTGAAAAAATGCAGTAATCTCAGTTAACGCTTACGCGATCTCACCCTTTTTGTGCTCCT  
CCGTCCCTTCTCCACCTGCCGTCTGTCTCCCTTTCACCTCGCCGTCGCCGTGCGCGTCGCCATCTCC  
CTCAGCTCGCCATTACGAGATTCCATCTCAGATTGTCAGCTCTTCTCACACCATCTTCACACCTTAGTTTTTGGTC  
TACCTCCTTAGAGGTTGATTTTGCTTCGAAGCTCTCGAAACCTGTTGGAATATTTTCCAGCGAATTGTCTCCGA  
TCTTCCACCTCCTACAGAATGGAGAATTCAAAAATTCAAGAGATTTTGGAGAAGCAGGTCCTGACGGTGGCGA

>trans\_c\_3693 AF367257|Arabidopsis thaliana AT3g22390/MCB17\_12 mRNA, complete cds

```
>trans c 3694 Novel Gene
```

>trans\_c\_3695 NM\_001084699|Arabidopsis thaliana ECT6 (evolutionarily conserved C-terminal region 6) (ECT6) mRNA, complete cds

AAGCAAAGTGGAACACTTGGTAGCATTCTGCTGGTGGTCATGCGATCAGTTTCATCACGTGTTTTTCAGGGT  
AGGGGTGCTTATGGGTCAATCAACAGTAGATGACATATCAAATGGAAAGGTTGTTTCTCAACATAGTCAAT  
TGAGAGGACCTCATCCTATCAATAATGCCTTTTCTGACTTTCGACCAAGTGCTCATGGACAGGCTGCGATTCT  
AAATTCAGCCTAAGGTTCAAGTTGGTAGAGTTCTGGATAGTGCAAATGCTAGTTCAGATGCATTAAGTGAGC  
AGAATCGAGGACCTAGAATCAGCAGATCTAAAGCCCACTGGCTCTGAAAGCCTACACAACCAAGGCTGGAG  
ATGGTAATGCAGATGGAAACATTATTATCTACACAGATCAGTATAATAAGGATGATTTTCTATTGAATACCG

GATGCAAAATTTTTGTAATAAAATCTTACAGTGAGGATGATGTCCACAAGAGCATTAAGTATAATATTTGGTC  
ATCTACTCCCAATGGGAATAAGAACTTAATATTGCATATGAAGATGCTCGGAGAATAGTTTCAGCAAAATCA  
AGAAGCTGTCCTGTATTCCCTTTCTTCTCTGTCAATGCAAGTGGTCAGTTCTGTGGTGTAGCAGAGATGGTTGG  
CCCTGTGGACTTCAACAGGGATATGGATTTTTGGCAGCAGGATAAATGGAATGGAAGTTCCCTGTAAAGTGG  
CACATAATCAAAGACGTTCCGAACAACAACCTTAGGCATGTCATTTTGGAGAATAATGAAAATAAACCTGTTAC  
TAATAGCAGAGATACCCAAGAGATACCGCTCAAAAAAGGTCT

>trans\_c\_3696 XM\_002865240|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata electron transporter protein, mRNA

ATCCAACAAATCACCCGCCAGCCCCAAATCCCAGAACCAACGACGAGAGCTCCGGCATCGCGACATCAGAG  
ACGAAGAAGATGCAACTTCTCTCCGTAACCTCAGATTTTGTGGGCTATCAGTAGCCCTCATTCTTCCCACTA  
AATGGAAACCGACGGACCATAGTTTGTCAAATTCGTACACACGTTAAGATTCTTCAGACCTTGGCTCCCCCTTT  
GATTGCGCTGCTTCTACCATTATCCCCCTCAACAAACCCAGGATGTCTTGCCTCGCCGAAACGACAGAAA  
TAGAAAGAGGAGGTGCATTGTTTAATCAAGCTTGCATTGGCTGCCATGATGGAGGGGGAACATAATTCAGC  
CCGGTGCCCACTCTTTTCAAGTGATCTCGAAAGAAATGGAGCTGATGCCGAAGAGGAGATCTACCGTATTAC  
ATATTATGGGAAAGGAAGAATGCCTGGTTTTGGTGAGAACTGGAAACCAAGGGGTCAGTGCACATTTGGTCC  
ACGTTTGCAGGAGGAAGAAATTAGGCTTCTGGCAAATTTGTAAAGATACAGGCAGATCGGGGGTGGCCAA  
ACCCATAGACGGATATTGATTTTTGCGCCAGACTATTATTTCTTGTTTACCAAATGCTAATGTATGCTTCGTG  
TATGAAATTGAAGTCTTACCAGTTAATATTCGCCTAGTTCTTATCCGAATTGATGGCCTCACATATGTAGATGG  
CACATCTCTAGCTAATATGACAACTGAGAAGATAGGATGGATTGTAGCTGTTATCCTTTTGATAACTAGCAGCA  
ACGTATTATATTCGACAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3697 NM\_106182|Arabidopsis thaliana DHAR2 (DEHYDROASCORBATE REDUCTASE 2);  
glutathione binding / glutathione dehydrogenase (ascorbate) (DHAR2) mRNA, complete cds

ACACATTTCCAAGTTTCTTCTCTAGTTCCAGATTTTTTAAGAAAATGGCCATCGAAGCTGCGGTCAAGGCT  
GCTGTTGGTGACCCGACGAGATTGGGGACTGCCCTTCAGTCAGAGGGTTCTTAACTTTGGAGGAGAAG  
AAAGTTCCTTACAAATTGCATCTCATCAATCTGTCCGACAAACCCAGTTGGTTCTTGAAAGTGAGCCAGAAG  
GAAAGTGCCGGTGGTGAAGTTTGATGACAAATGGGTTCTGATTCTGATGTCATCGTGGGGATTCTTGAGGA  
GAAGTATCCAGAGCCTTCTTGTACTCCTCCTCAATTTCTTCTGTGGGATCGAAGATATTTAGTGCTTTTGG  
AAAATCTTGAAAAGCAAGAACCCGAAGGATCATTAGAGGAGGATTTACTTGTAGAGTTGAAGGCGCTCGA  
TGAGCATCTTAAGGCTCATGATGGACCTTATGTTGCGGGAGAGAAGGTAAGTCTGTTGATTGAGTCTGGCA  
CCGAAGTTGTACCATGTTGATATTGCTCTTGCCATTTTAAGAAAGTGGTCTATCCCCAAAGAGTTGGCCAGTTT  
AATCGCCTACAAAGAGTTGCTTTTCACTCGAGAATCTTTGTGAAGACGAAAGCTACCCCAAGATGTAATTG  
CTGGATGGGAGCCAAAGGTGAATCCTGCCTGAATACAGGGACGCATTCACCCCAAGTTATAAAATAATTGGA  
AGAGGGGTTTGATTGATGAATTTGGCTGTGGTGCTTGCTTGTATCTTCTATGTTTCAATAAAGTGTATT  
TTCTTATGTGCTATAATGGAACAGTGTAATATCATTATGC

>trans\_c\_3698 NM\_201892|Arabidopsis thaliana ATTIM17-2; P-P-bond-hydrolysis-driven protein  
transmembrane transporter/ protein transporter (ATTIM17-2) mRNA, complete cds

GCGGTGGCCAGTGAACGCATCAAAAGAGAAAAACCTAAACTGATTGTATCGACGCTATGGGAACGCCGGAA  
ACTTCCAGGGAACCTTGCCCCGATCGTATTCTCGATGATATAGGCGGAGCTTTCGGCACGGGAGCTGTCCGGT  
GTTTCAGCTTTTCACTTTATTAAGGTCTTTACAATTCTCCCAAGGGATCCAGGATTATCGGCGGTACTCAGGCT  
GTCCGAATGAATGCGCCGCGCTCGGTGGAAGCTTCGCGGTTTGGGGTGGTTTATTCTCTGCTTTCGATTGTA  
CCATGGTCTATGTCCGCCAGAAGGAGGATCCATGGAATTCAATTATCGCTGGCGCCGCTACCGGAGGTTTTCT  
TCAGATGCGACAGGGACCTGCATCGGCAGCTCGTTCGGCGTTGTTTGGCGGCGTTCTGTTGGCTTTGATTGAA



>trans\_c\_3699 BT011954|Arabidopsis thaliana At1g11320 mRNA sequence

>trans\_c\_3700 DQ849630|Phelipanche ramosa methionine synthase (met1) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3701 NM\_121303|Arabidopsis thaliana ATGSL12 (glucan synthase-like 12); 1,3-beta-glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATGSL12) mRNA, complete cds

GACCTGTAGGCCTGTATTGGCACCTCCGTGAAGTAAAGTCCTGCCATAATAGTGGGTCTTTGTCCCAAGAGA  
GAAAGTAAAAAAGACAGGAGCTAATTGTAATTGCATCAATACGAATTCACTCAATGCAGTGCGGAGTCCCCTT  
TCCAAACCAATCTCCATCAGCATAGGCGAGGCCATCAAGAATCCAATTTGGACAAAAGATTGAGAAGCAAGG  
GCCACTTGCAGAGGTTTATTGTCTCGAATTGCTGGTTGAGTGCTCAAACCTTTTTCAAGTCCACTAAGAACAAG  
ATAAAGACGACCATAAAGGAACACATATACTGTGAGGACAGTTATCAGAGTACTAAAATAGAACCCAATAGTT  
GTAAAATAACAAGATAACATTCGGAAGAAGTCAAATCGATGTCCAAGACGGTATATATCACGACTTAATGTCT  
GTTCCCCATTCCCATTTGCTATTTGGCTTCAAACATTGAAATTTGATTAAGACCCACATGTCCCTTTTCCAACCTT

GTATGTACTCATGATGAGTGACATTCCTTCACGGAGAGTTGAATTGAAACCAGCAAATATGTCTTCACTCAAA  
TTGATAACCTTTGAAGCTTTACTGAAGCCCCCTCTAGTTAGGTGGAAGAGCCTATCGAACACGTCTGGATGTCC  
ATAGTGGAACGAACCTTTAGAGGGTTGGCTAGAAGTCTCTGACCAATGGTAACAAAAGTCTTCTTGATTA  
GACATGAACCAAGCAAGCGATGAAACACTTCCAGTAAATATATGCTCTCGAAGTCCAAGAATAGAGGGGTAT  
CTAACACCCTCATGCTTTTAAAGAACTCTTGCAGCAAGTT

>trans\_c\_3702 AY105536|Zea mays PCO106687 mRNA sequence

ACGATAACGCATCGTCTTCGCCTCTTCTCAAATTCCTCTCTCCAAAACCCTAGCTTCTCATGATTCCACATT  
ATAGATCTCCCACTCCCTCCTTGGGTTATCCAATTACCCTAATCATGGCGGCCGGGTTCTCTGCCCTGGCCCTG  
GTTTCCCGTGCTGCTCAGGATTCTTCTCTCCCTCAAAGAAGTATGTCTTCGAGACCCAGCAGAGGATGACAC  
CACAGATCGGGGATGGGCCATTGAGGGGGGTGGCCAACTTAAAGTTTGTTCGATAATTCTGGAGAATCTCAA  
CAAAAAACGGATGGATTCTTGTAGAGGCAAAAAGGGTTCAGTTCGAGTTTCACAAAGGTGTAATTAACCATG  
CTTATATGAGAATTGATGGGGAGCCATGGAAGCAACCCCTTCTGTGGAAGATGACAAAGTGTCTATAGAAAT  
TAGTCATTTTGGTAGACCAACCTACCTTGCCGAGCTAAAGTGTGCATGACCTGTCTTCAACTCAGTCATAGCAG  
CAAAGATTATGTTAACGAGGACGATGACTTTACAGAAGAATACGAGGCAGTACAGAAGTTTGGTGCAACTTC  
TACCTTTAAGTATTTTGTATGTGGCTGACACAGTTCATTATCAATAGTTCTGACATCTTGGCTTTTCTTGTTTCA  
TGTATATGTTTCATTGTCACCCGATGCATCTGACATGATTGATGAAGTAGTTGCCTCAGCACTAAAAATTTACTC  
ACATCTATGGAATGTAATCTGCATTCATGTATAGGAATTTAATGACATCTTAATTAAGATTTTCAAATATTTGTA  
TTTTTATATGTAAATAAGCCCCACGACTTGAGCTT

>trans\_c\_3703 EF530042|Caragana jubata succinyl-CoA ligase beta subunit mRNA, complete cds

TACTTGTCATAAACAAGTGGTCCACAGGGTAAAGTTGTCAGTAAGGTTTATCTATGTGAGAAGTTATCACTT  
ATCAATGAAATGTAATTGCTATCACATTGGATCGTAAAAGTCCCGTCCACTTATAATTGCCTGTAGAAAGGG  
TGGAAGTAGCATTGAAGATCTTGCTGAGAACTTCCCGGATATGATTATAAAGGTACCTATTGATGTTTTCCAAG  
GAATTACAGATGAAGATGCTGCAAAAGTTGTGGATGGTTTGGCTCCCAAGGGTGCTGACAGACAGGATTCAA  
TCGAACAAGTAAAAAATTGTATAAACTCTTCTGCGAATGTGACTGCACGTTACTGGAAGTAAATCCCATTGC  
AGAGACTTCAGATAATCAGCTGGTGGCAGCTGATGCTAAGCTAACTTTGATGATAATGCTGCATTTTCGTCAA  
AAAGCAATATTTTCTCTCCGTGATCCAACCTCAAGAGGATCCTCGAGAGGTTGATGCAGCCAAAGCAGATCTAA  
ATTACATTGGCTTAGATGGAGAAATTGGTTGCATGGTCAATGGTGCAGGATTAGCAATGGCTACGATGGATAT  
AATTAAGCTGCATGGGGGAACCTCTGCAATTTCTGGATGTAGGTGGAAATGCTTCTGAAGGGCAGGTAGT  
TGAGGCATTTAAGATATTGACTTCTGACGAGAAGTTAAAGCAATTTTGGTGAACATTTTGGTGGATAATGAA  
ATGTGATGTCATAGCTAGTGGAATGTCCACGCTGCCAACAGGTGGCCCTCAAAGTGCCCGTGGTTGTTTCGG  
CTTTGAGGTACAAACGTTGACCAAGGAAAAAAATTCTGAAAGA

>trans\_c\_3704 AY307046|Hyacinthus orientalis cultivar Delft Blue microsomal signal peptidase-like mRNA, partial sequence

CTCTTTCTCAGATTTAGACAAACCTTCGTAGACGGCGAAGAGAACTGAAACCGAAAAAGATTTCAAAAAATG  
GCGACCAAAAATGCTAAAAAGGCCAATCTTGGATCATCACTCTCTCAAACACCTACTCGATGAATCTGTTTC  
TGAGATTGTCACCAAGTCGCGGCTATGTTGAAGACGTCAGGTTGAGTAATGTCAAATTGATTATGGGCACTGTC  
ATCATCATCATAGCTTTGGTGGCTCAATTTTACAAAAAGAAATCCCTGAGAATCGCGATTTCTTGATCGGTTG  
CATTATATTGTATGTAGTTTTTAATGGGATCTTGCAGTTTATTGTTTACACCAAGGAGAAGAACGCAATTTTGT  
CACGTATCCTCCTGCAGGATCCTTACCAGCACTGGGCTGATAGTCTCTTCAAACCTGCCAGATTCTCAGATC  
TGTATACACTGACCATATCTAGTTCGGATCCCAAATCAATTTCCGCCAATGAACAGTTCAATTTACCAAGAGT  
GTCACCTCGCTGGTTTACTAAAGATGGGGTTTTAGTTGAGGGACTCTTCTGAAAGATGTTGAAGCATTGATCG

ATGAGTATGCTAGAGAACCAAAAAAAGAGCAAGTGATTTCTATACAAGCCTTCTTTAATGGGGGGGATCTAA  
CTTTCAAGTAAAGTAACTGTTTTCAATTTTTCTTGCTTCTTTTCATTACTAGCAAAGTGAAGTATCTTTTTCCTTG  
ATTAATAGATTTTAGAAGCAAAACAGGATGAGCCTAAATTTTCAATATCGTTTTTGGTAATAGGAATATACTCT  
CTTAAAGCCAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3705 NM\_113355|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein / extensin  
family protein (AT3G24480) mRNA, complete cds

AAATCTTCATATCATCTCTCTCTCCACACCCACATTTTGAGCTCAGATCTCAAAGAAAGGATTGAGCATTCCCTG  
CAAAAAAGAAAAAAGAAAAAGAAATCTCCTCATTCTCCAAAATCCCTCTCAGGTTTAGAGAAGAACAG  
GAAGAAGAAAGGTGAAAAAGAAAGTGGGATTTTGTGGAATCAGATGTCTCACATATGAGATGAAGAGCGAT  
ACCCATTTAAACATTCATCTTTTCTTACATTTCTTCTTCTTCTTGGCACTTTTCTTTGTGCCTTTCTTCTTCTT  
CTGTACCTGAAGAGTTTCTCAAGCTTCTAGCCATGGAGGACGTGGTCTGACTGATGCTGAAGCTCATTACATC  
CGTCAACGCCAACTCCTTTACTACAGAGATGAATTTGGTGACCGTGGTGAAGAAGTCGTCGTCGATCCTAAAC  
TTGTTTTTGAAAACGACAGAATTAGAAATGCTTACATAGCATTACAAGCTTGAAGCAAGCGATTCTGTCTGA  
CCCTTTAAATCTTACTAAGAATTGGGTTGGATCTGATGTTTGTCACTACAAAGGGGTTTTCTGCGCTCCGGCGC  
CGGATAATTGTCGATCCGTACAGTCGCCGGAATTGACCTTAACCACGGCGACATTGCCGGGTACTTGCCGGA  
GGAGCTTGGTCTGCTTGTGGATCTTGCAATTGTTTCATATAAACTCCAATCGTTCTGTGGGACTGTTCTCACA  
AGTTCAAAAACCTGAAGTTGTTGTTGCGAGCTGGATCTGAGTAATAATCGCTTCGCCGGGAAGTTCCTCGGGT  
GGTCTTAAGTTGCCGGAGCTGAAGTTTTTGATCT

>trans\_c\_3706 NM\_102006|Arabidopsis thaliana zinc finger (CCCH-type) family protein  
(AT1G21570) mRNA, complete cds

AGTGCCCTTATATTCACGACACTTCCAAGATTGCAGTCTGCACAAAATTTCTCAACGGTTTATGTTCTAACGCAA  
GCTGCAAATTGACTCATAAGGTGATTCCAGAAAGGATGCCTGATTGTTCTACTTTCTACAGGGTTTATGCAGC  
AGCAAAAATTGTGCTTATAGACATGTAAATGTAACTCAAAGGTTCTACTTGCGAGGCTTTCCTTAGGGGGCTA  
TTGTGCTCTGGGAAACGAGTGCCGTAAGAAGCACAGTTATGTGTGCCCTTGTGGAAGCAACAGGAACATG  
CCCGGATAGATCAACATGCAAACTTCACCATCTAAACAACAACTAAAGGAAGGAAAAAGAAAGCGATTGGA  
AGGGAGGAATAACGATCAAGGACGCTACTTTGGTTCTACAAATCAGGATGTTTCTAGATCTAGATTGGTGGTG  
AGTGAGAAGCAGCTTCTGTAAATCGAGTGACCTTTTTCTGAGGATCTGACAGATTATATCAGCCTTGATGT  
CGGCAGTGATGAAGATATTGAAGAAAGCCATGACTCGACAAGCCAGACTACGTCCTTTTGTCAGGTTACCTC  
TCTGAGTTACTGTTAGAAAATCCCGACGAGCTAATCAAACCAGTTCGGGTAATGAATGAGAATTTGGCTGTGC  
AATAGTTGGCAAACCTGAGTTGCTTCTTCTCGTTGGGAGCAAGGTTTTGTCCAATCTCCACCATTAAAGG  
TTTAACAGAATCACAGTTAGTTTAGTTTAGTTAGTTAGTTTTTTCTCTTTCTTTGTTAGTTTAGGTTTT  
TAGTTCAGCTTCTTCTAGTTGCAGAAATCTGGATTAA

>trans\_c\_3707 AF315733|Arabidopsis thaliana PRLI-interacting factor A mRNA, partial cds

ATAATCCTCTCTCTTTACTCCAAACCCTAATTTAGATTTCATAATCCACAAATTATGAAACCTCAACACAAC  
ACAGATTCATGAAGTAATTCCTTTTTGAGTTCTCCCTTCAATTGTTGCGTACTACTGATAAAGTCTCTCTTT  
CGATTTCTAGGGTTTCAACAACGGTTGGATTGTTTGTTCATACTGAATCGAATCTCCCGTGCCCTAATTTCTT  
TTTCTGTTCTACCGTTTCTTTCTTGCTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTATGTGTTTTCTGTAATTGGGGTATCCGAA  
TTTTGAATTTGCTTCGATTTGATGAATGATATGGATCATACTCAGATCTTAATGAATCATAACTTCGTTGTTTG  
GACTCAGCCTCCCAATTTGCCTCCGGTTCTACCGTTGGAGAATCGAGGTATGTTTCTCAAGCCTCTCAGAGGC  
CGCTCTCCACACCTCTACTTCTATTCATGGCCGATGTTTTAGAAAAGGGAAAAGGCCTGATATGAGGCGAAA  
AGACTTAACTGCAACACCCTATAAAACCTCGAATTGGAACGAACTACAGTACCAAAATCGCTTGAAGTCGAGG

CGTTTTTATCCTAAGAAGAAGTCCAATTACCGTTTTCTCCATTGCGCCTCGCAATACCACTTCCTTCTTAATTC  
GAGCCAAACGATCCGGTGGTATTGCGTCGTTGGTTTCGCCTTATCCGGTCACTCCTGCGGTGTTGCCGACTCCC  
ATATTTTCGCCTCTTAGAGAAGTTCTTGTTGATATGGCTAAGGAGGAGTGGGGTCTTGATGGGTATGGCTCGA  
CGAAGGGTCTGATTAGGCTTCGGTC

>trans\_c\_3708 NM\_180379|Arabidopsis thaliana UBP1 interacting protein 2a (UBA2a) (UBA2A)  
mRNA, complete cds

ACTTCGGTGCCGCATCGTACCCACTTCCCCCCTTTGCTTTCTGTCTCTCCAAAACCCTAGACCTCCTCTGAGC  
TTCCTCTACTCCTTCCATGGCTAGAAAAGCGAAAGCTCGATTCTTCCAAAACCTCCGAGTCCACCGAGCCTCCCA  
AGAAGCTTCAGCAACAACCTCAAGCTTCCCTCGACGAGGCCAAACCACAAGATGAACCCCTCAAGGAAGTCGT  
TCCTCAAGATCTACCTCAATACGATGTCGTCGAGGAAGAAGACGATGACGACAACGACAACGACAACGACAA  
CGAAAACGAAAACGACGACGACAACGATGAGGAGGAAGAGGAGGATGACGATGAAGATGAGGACGAGGAT  
GATGAAGGCGATGCGAATGTTAATAACCACCATCCGACCCCAAGGTTTCGTCTTCTCGGCCGCTGTTGCAA  
CTACTGACGACGACGATGAACCCATTCAAGCTCTTGAGCCTTTTAGTAAGGACCAGCTTATTAATTTGCTT  
CGTGAAGCGGCCGATAAGCACGTGGATGTGGCTGGAAGGATTGAATGGTTGCTGATGCGGACCCGTCTCAT  
CGGAAGATTTTGTTCACGGGCTTGTTGGGATACAAATGCTGAACTTTGATTAATGTGTTAAGCAATTTG  
GCGAGATTGAGGATTGCAAAGCTGTGTGTGATAAGGTCTCTGGTAAGTCCAAGTGTTACGGATTATCCTCTT  
CAAGAAGCGGAGTGGGGCTCGAAAAGCCCTGAAGGAACCCAGAAAGATTGGGAATAGGATGACTGCTT  
GCCAGTTAGCTTCGGTTGGGCCTGTTCCAACGNCAATGCGTGGCAG

>trans\_c\_3709 XM\_002327053|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP82C10v1), mRNA

CTTCACAAGTAATTCTGGTTTGTTCATAGGCAACATGGAACCTTCTCAGTTCTCTTACCGGACACGGTTGCTGG  
AATCTTCGCCCTCATCATCTTTCTCTATGCTCTATTCAAGATATATAAAGGAGGAGTCGGAGCTCGTCATCGGA  
AGCGACTGCCACCGGAAGTCGGTGGCGCATTGCCGCTGATTGGCCACCTCCATCTTTTAGCTAAAAATGAACC  
AGCTCACAAAACGTTTGCCAAAATGGCTGATGCATATGGGCCAATTTTACGTTGAGATTGGGTTTGTACACA  
AACTTGATTGTGAGCAATTGGGAAATAGCGAAAGAATGTTTTACTACAAACGATAAAATCTTTCCTCTCGTCC  
AAAGCTCGTGGCCTCAAAGTTGTTGGGGTATGACTATGCCATGTTTGGGTTGAGCCCATATGGTCCACACTGG  
CGCCATGTTTCGAAGTTAGCCATGCTCGAACTATTGTGCGAACTATCGCCTGGAGAAGCTCCAACACATAAGGG  
TATCCGAGGTCCAACTTCGATGAAGAATTTGTACGAGTTATGTCTAAAAAATAAGAAGAATGCATTGGTGGGA  
GATGAAGACATGGTTTGGAGATATAACTCTAAACACCATTTCTAGGATAGTGGTTGGAAAGAAATTCTCGACC  
GCCGTGTATGCAAGTAATAATGAAAACGAAGAATGTCGGAAGGCGTTGAGGGATTTCTTGAATGGTTTGGGA  
GTATTTGTTCTTCAGATTGTTTCCATTTCTAAAGTGGTTGGATTGGGTGGACATGAGAAAGCCATGAAGAA  
GACTNGCAAAGTTCTTGATGAGGTGTTTGATAAATGGATTCA

>trans\_c\_3710 NM\_114672|Arabidopsis thaliana hypoxia-responsive family protein / zinc finger  
(C3HC4-type RING finger) family protein (AT3G48030) mRNA, complete cds

AAGACGAAGAAGGCGGCAACGCAGCAACCTCTTCCTTCTCCAAACCAATTCGTTCTTTTTACTTTGTGGGT  
GCTTGATCTTCTTGCCTTTTCTCTGATTTTGATTTAGATTCATCTCTTCCCTTCTTCAATCAACCAACAATGAGC  
TCCGACGAACCAATTTGGACGAGTTCTTCGTTGAGAAGAAGCGCGCTAGGAACCTCTTGTCCCCATCGGTG  
CACTTGCCACTGCTGGGGTTCTCACTGCTGGATTAATAAGCTTTAGACGAGGCAACTCTCAATTGGGGCAGAT  
ATTAATGAGAGCTCGTGTGGTTGTCCAAGGTGCTACAGTAGCACTGATGGTTGGCACGGCTTTTTACTATGGA  
GAGAATCCTTGCGGTCGAGTTAAAACGTCCATGTACTGCTCTTTATGACTTTCTTTTACCAACTGTTTTACA  
TTGCGACATTTAGTAAACAATGAAAGATTTGTTGTCTTGCGATCTTTCTTTAGGTATAAGCTACAACGATATG  
TTATTCAGTGATTGCGTAACGATATTTATATATACTGAAATAATCCTTCAGGGGAAGGAAGTGTAATACGTATT

CATTCTTAGGCTTTGGCGTGTTGCCTTTAAAGATATTAATCTTGGTGTAATATTGGAACCTTTTTTTTGCTTTT  
TCTTTCTTTCTTTCTTTTATTCTAAGTTTAACGTGTTATGTTGGAGCATTGACATTATAACTGAGAATCATTG  
GGCCTATTTCAATGTCATCATCTTAGTTCGATGACCATCCATATATTATATTGGTATACATATCCCCTTATGGC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3711 BT003127|Arabidopsis thaliana At5g39890 mRNA, complete cds

CTTCTCCATTTCGGAGATGCCCATTTTGACATCTCCTCTCAATCTGTACTAATCTGTACCTTCTCTCTCATCCTCT  
TCCTCCCCTCTTTCTTCTTCGCTTTCTTCTTTCTCTCTTGGGTTCTATCCAGATCCCCGTTTTCTTCTACCCCTT  
TTCCCCCAATTTCTTAACAGCCACTTCATTTCACTTTCCAATCCCCCTTCTCTCTGTTGCTTTAATGGGGATTG  
AGAGGTCTCTGGCTGATCGCAAAGGGAAACAGTTTTGTGAATTGCCTAAAGAACTACTACGAATAACAAGC  
CCAGAAAGAATCGGCGGCGGATGAGGAAATCCTCCTCCCCGTTACCGGTTGAGAACTCTATGAACTTGTA  
GGAAGTTTTTGCTTCTAGTGGGACTGGAATCGTTCCTTCTCTGAAGATATTGAACGCCTACGAGCTGTTCTGG  
ATAAAATGGAGCCAGTAGATGTTGGGTTGTCGCCGGACATGCCGATTTTTTGGACGACAGCCAGTCAACAAA  
CTCCCCGATAACATATTTGCACCTCTATGAGAACAACAAATTCTCTATGGGAATATTTGCTTGCCTCCTTCAG  
GTGTCATTCCACTTCACAACCATCCTGGAATGACAGTCTTAGCAAGCTTCTCTTTGGAACCATGCACATCAAG  
GCATACGACTGGGCCGAGGTTGGTGCTGAGAATGGCGCATCTGCGTGTGTCGATACATCAAGTGGCACAGCT  
CCTTCAAGAAGTGTTGCGTTAGCCAAAGTTAAGGTAGATGCAGACTTCACAGCACCGTGCGACTCGTCGAATC  
TTTACCCTGCAGACGGAGGGGACATGCATTG

>trans\_c\_3712 NM\_129784|Arabidopsis thaliana rhodanese-like domain-containing protein  
(AT2G42220) mRNA, complete cds

ACACTCAGAAGCTCAAAAATGCTTAATTCATCGTCTTTATCTCATACAATGGGAGGAATTGGGCCTTGCTGTTT  
AACTCTTCCTCAAGAAGCAACCCAAGGACATCCTGGTTAACTTTAAGGACTGTTCTCATAGAAGAACCTATC  
CAGGGAAACAAGTTCTTCAGAGAAAAGTTGGAATTAAAGCTGAAATAAATTTTGTCAATGCTGAAGAAGCCA  
AAAAACTAATTGCAGTTGATGGATACGTAATCGTTGATGTTGCGGACAAATCGCAGTTGATCGAGCTCATAT  
TAAATCGTGTTACCATGTCCCACTTTTCATTGAAAACCAAGACAATGATCTTGGAATATCATAAAAAGGACAG  
TGACAACAATTTTTCTGGTCTCTTCTTTGGATTGCCATTTACAAAACCAACCCTGAGTTTGTGCAGTCTGTTA  
AAGCCCAGCTTTCACCTCAAAGCAAGTTATTGCTAGTTTGTGAGGAAGGATTAAGATCCACTGCTGCTGCCGA  
CAAGTTAGACAAAGCTGGTTTTGAAAACATTGCTTGATAAATTGAGGACTCCAATCTGTAAAACAGGCACAT  
TTGAATCGGTTGGTTCGACCGAATTACAAGATGCTGGGAAAGCCGTTTGGTGACGATCCAAGGCAAAATTTT  
AGCTGTATTAGGAACTGTTCTTATCTGCTGAGAAGCTGCTTCAAATGGCACCAACAAGTTAACTTCTTATATT  
GTCTAAACATTAACCTTTAATTTTATTTTAATTAATTTTCTTTTAGTTTAATTTTGTGTTAGATATTATTCTTAA  
TTGCTGTCATTAAAATGCATGTATATTTCTAC

>trans\_c\_3713 NM\_101280|Arabidopsis thaliana oxygen evolving enhancer 3 (PsbQ) family protein  
(AT1G14150) mRNA, complete cds

AAGGCCAGAAAGTGTGTGTGTGTGTATGTTCTCCCAAATGGCGAAATGAATGGTAAGAAGCCAAAAGTAC  
ATCCAAAGCCATGCCTACCCCTTCTTGCCAACGCCAACGACTCTCTTCTCCTCACCCATTTCCACTCCCCACAA  
ATCCCTCCACCGCCGCCACTTCCCCATCATCACCGCCTCCCTCCCATCCACCGTCGCCATATCGCCACAACCCCTT  
GCAGTGGTGATTGGGTTGCAAGCTGCAACACCCCTCGCGCTAGCCCAAAGTTGGGGTACACACTCGTTCATTA  
AGGAGCGATACTTCGAGCCCGGTTTGTGCGCCGATGAGGCAGTGCGGAGGATAAAACAGACGGCGGAAGGA  
CTTCATAGCATCCGTGAGATGCTTGAGACCACGTCATGGAGGTATGTCATCTTCTACATTGTTTTGAAGTCGGC  
CTACCTCTCCAAGACTTGAAAACGCCATGACTACTTTGCCACAAGCTCGCCAAAACGATTTGTTAAACCG  
CTAACGAGTTGGTCGATAACATGGCTGAGTTGGATTATTACGTTTCGCACACCCAAGGTGTATGAGTCATATTT

GTACTACGAAAAGACATTGAAATCCATTGATGATCTGGTGGCTTTACTTGCTTAGAGATGTAAATAAAATAATT  
AATATCAAATGTTCTTCATCCCACAAAATTGAATGCATCAAATTTGTAGATTTGTGTTATTGATTTAAGATTTCT  
GTAGTCTTTTACTTCATTAGTTAATTATTAATTCATGTGTAAAAAATTATTTTATTCTAGTAATTGTTATGAAA  
GAAAAAGGGTTATTAATTTCTTCATTTTAAAAA

>trans\_c\_3714 NM\_116147|Arabidopsis thaliana invertase/pectin methylesterase inhibitor family  
protein (AT3G62820) mRNA, complete cds

ACATTAATCTCAATCTCGTTCACAAATCAACCCACTATATACTGATTTTCATCGAAATTTATCTTCTATCCCCACAT  
ACCTTTTTCACTTCTTTTCAGACATTTTCATCAAACATGATGCGTCCACCCAGTACAAGAGCATCAATCGCAGCCCT  
TTTGCCCTCATCTCCATTCTCCCATGGCTAACCCACTCCGCCAAAACGAGCTATGTCCAAGAAGCCTGCAGGG  
TAACACTACACCAAGATCTCTGCATTCAATCCCTGTCGCCATTTTCAAGCACTGCCAAGCGCAGCCCCACAAAA  
TGGGCTCGAGCGGGGGTGTGCGTGACGATAACAGAGGCCAAAAAAGTGGCAGCACTCCTGGGGAGGTTGA  
AGAACAACAAGAGGATGAAGGGTAGAAACAGGGCAGCAGTTTTGGACTGTGTGGAAGTGTGTGACGCCGCC  
ATTGATGAGCTTCACAGGTCGCTTGGGGTTCTTAGAAGATTGAGTAGGAGGAATTTGACTCACAAATGGGG  
GATCTAACGACGTGGGTCAGCGCTGCGCTGACGGATGAAGATACTTGCGTTGAAGGATTTGAAGGTGAAAG  
GGGAAAAGTAGTGAGTTTGCTAAGAAATCGAGTGGTGAAAGTTGGTTATATTACGAGTAATGCACTTGCTTTG  
GTTAACAAATTGGCTACCTATGGTTTCGAACTGCACTAAATATGTAAGGAGATTTGAAATTTCTCTTGAGCTT  
TATGTGGAGTCTTGGAATTAATGTTATATAAGTTTGTATAATTTGTAAGTGTACTCTTTGAGTTTGGATTTTGA  
TCTTCTTCTTCTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3715 NM\_125084|Arabidopsis thaliana NMT1 (MYRISTOYL-COA:PROTEIN N-  
MYRISTOYLTRANSFERASE); glycylpeptide N-tetradecanoyltransferase/ myristoyltransferase (NMT1)  
mRNA, complete cds

AACCTCACTTGTCCAATTTTCAAGCGCTCAATCAAATTCACCTTCACCTTTCAGGATCTGATTCTTTCATCCCACA  
AGTTTCTTCTCGACTCATTCTCTAGCCTTCAGGTAGTTCTGATCAAGTGGAAGGATTTTGATTGATTGTTAA  
AGTTGAAATATTTTGTGAGATGGAGGATAACAATAGTTCTCCAGGATCTCCTAAGGAAAACCCAGATCAGGA  
AAATGAAGCAGGAAAAGTTACCAAGGACGATGGCTCATTGGAGAACATGGTTAGGAGGATTCAAGATTCTAT  
GTCCATTGGCAAAAGGCACAAATTCTGGGAGACTCAACCTGTTGGACAATTTAAGGACATTGGGGATTCTAGT  
TTGTCTGATGGGCCAATTGAGCCACCACTCATTATCTGAGATTAACAAGAGCCTTATAATCTTCTAATTCC  
TATGAATGGACAATTGTGATATGGACTCTGAAGAGACTTGTTTGGAGGTGTACAATCTCTTGAAGAATAATT  
ATGTTGAAGATGATGAAAACCTGTTGAGATTTAACTATTCCAAGGAATTTCTTGGTTGGGCTTTGAGACCTCCA  
GGGTACTACCAAGCTGGCATATTGGAGTTCGTGCTAAAGCTTCTAAGAAGTTGGTTGCTTTCATCAGTGGTG  
TGCCTGCTAGAATCCGGGCACGCAATGATGTTGTGAAGATGGCAGAGATCAATTTCTTGTGTGTTTACAAGAA  
ACTTAGATCCAAGAGACTTGACCCGTTATGATCAAAGAGGTTACAAGGAGGGTTACCTGNAAAATATATTT  
CAAGCAGCTTATACAGCTGGGGTAGTTCTTCTACCC

>trans\_c\_3716 Novel Gene

AATTAATTAAGAAAAGAAGTTAGAGAAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGTGGGATGAAAGAAAAGAGA  
TAAGGTTTGTGTTTTAAATTTGAATTAGTCTTAATAATTCCTAATTATATCAAATTAATTACCAACTTTTGGAG  
TGAAAAAAGGAGCCATTTTTGGAGTTGTCTTTTTTTTTGTGGGACTGTCTCTTCTTCTTTTATTTATTTCACTC  
TAAATCCACTTCTTTTTTGGTGTCTTTCTTTTCTCCATTTTCACTCTTCTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTT  
CTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTGCAAAATATAATTCTCAAAAAAAAAAAGAGAAAAAGAAAAAAGTAA  
ACTCTGTTTACTTTCTCAATTAATTTCCATGTCCATCATTCTAAGGCTTCCACACACCGTTGGATTGGTTTTGATC  
AACGGTGGTAAATAGTTCTCTCTTGTCTTTTTCTTCTACCTCTTACCTAAAACAGCCATGGAAGCCACTGAAG

TTTAATTCAATATCCACTTTTTTAAAAAAGATTTTCTTCTGAAAAAAAATACAAAATTAATTGCCACTTCCCATA  
TCCAAAACCCAAAAAGCTTGGACTTTTTTCAGGTGGAAGAATTTTGAAAAATAGGGGGGAAAAGAAAAAGAAG  
ATGTTGTGGAATAAATCTAGAGCTGTAAGTGGAACAAGCATTAAATGGCTGATAGTCAAATCTCAAGATTTT  
CTTCTTATTCATATACAAAACCACTTGAAAATTCCTTGTTGGATCACCAAATACAAAGCTTTTTTACCAACGA  
AACAAGCAATTGATGATCATACTTC

>trans\_c\_3717 NM\_129716|Arabidopsis thaliana SFGH (S-FORMYLGLUTATHIONE HYDROLASE); S-  
formylglutathione hydrolase/ hydrolase, acting on ester bonds (SFGH) mRNA, complete cds

AACAAGTGTCACTCTATTGCTCTTCCATTTCCAACCTCAAGCCTCACTCGAACGACGATCTCCCAGTATCAATCAT  
CTCTCCTTTCCATCCCCAACATTTTTCTTCGAACACTCTGAAAATGGACCTCAAGCCAACCGAAATCACCTGCTC  
CAAGATGTTTCGGAGGATACAACCGGAGATACCGCCATTACAGCCCAACTCTTGGCTGCTCCATGACCTTCTAC  
ATTTACTTCCCTCCATCTCCTCTCCCGTCCCATAAATTTCCAGTACTGTACTGGCTCTCTGGTCTTACGTGTTTCGG  
ATGAGAATTTTATAATCAAAGCAGGAGCACAACGCACTGCTTCCAGTGAAGGTATTGCTTTAATTGCACCTGA  
TACATCTCCAAGAGGCCTGAATGTCGAAGGAGAGTCAGACAGTTGGGATTTTGGTGTGCGGTGCTGGATTTTAT  
CTCAATGCTACACAAGAGAAATGGAAAAATTGGCGTATGTATGATTATGTTGTCAAGGAACTACCTAACTTC  
TGAGTGAGAACTTTTACGAGCTTGATACATCGCGAGCATCTACATTTGGTCACTCTATGGGCGGGCATGGTGC  
TCTAACGATCTACCTGAAAACTTGACAAATATAAGGTATTTGTTGATATAATCTTGTTAGAATTAGTGGGCT  
TGATGTGTGTTGAAAGCTCAAGGATTCTTTTGTATTTTATGTAACCCTAATTATTCTTTCCTTTTTTAATAAGGA  
TCTTGTTGCCTACTAATCTTCCCCCTTTTATTATTTGTTACATAAGAAAATATCAAGAAAACCTCTCTCCCATGG  
TTTTTCTCACAAAAA

>trans\_c\_3718 NM\_001058308|Oryza sativa Japonica Group Os03g0827700 (Os03g0827700)  
mRNA, partial cds

CAAATAGTCAAAGGAGAACAGTTAGATCACTTGAGCGTGATGTGGGGTGCAAATTTGAGTTTGCAAATCCAC  
CTGCAATTGAGCAGGTTCTAGAATCATCAGCTGAGCAAGTGTTGTTACTCTTCGGGGTGTTTCATCCTGAATCT  
ATTGAGTATTTCACTCCAACCTGCACAGAAGTTAATTGATGAACAAGGACCGGGTGCTCTGGCGGCTGCACTTG  
CACAATTAAGTGGGTTCTCCCATCCTCCTTCATCACGGTCACTTATTAACCACGAACAGGGATGGGTGACATTG  
CAGCTGACCAGGGATCCATCTTATTCACGTGGGTTTTGTCTGCTAGGTCTGTCACTGGATTTCTGTCTGACATT  
TATTCTCCAGCTGCAGACGAAATTGGAAAAATACATCTAATTGCCGATGAAAGGATAAATGGAGCAGTATTTG  
ATCTTCAGAGGAAATAGCAAAGAGTTGCTGAATAAGGAACTACCAGAAGGAAATACTATTTGAAGGTAA  
CGAAGTTACCTCCTCTGCAGGACGATGGCCACCAAGTGACAACCTACGGAAGATTTTCTGGCAGAGAAAGAA  
ATAGTCGAAATAGCTCTAGGGATCGCAGAGGTTTTAGAAGTTCAAGGGGATGGGGAAGCAGTCGAGATTCTG  
ATGACGATGGTGATATGTTTAGTAGAAATCGAGTTTTAGAACCAACAGCAGCAAGGGTCGAAATTTAGAA  
GCTCAGGAGATGATTGGCTAATTGGAGGCAGACGATCAAGCAGGTCATCATCCGTGGATAGATTGGCGGCT  
CCTGTTTTACTGCGGAAGGATGGGACACAGGGCATCAGAATGCCCT

>trans\_c\_3719 NM\_202559|Arabidopsis thaliana SYP121 (SYNTAXIN OF PLANTS 121); SNAP  
receptor/ protein anchor (SYP121) mRNA, complete cds

ATTCAAAATCAGAGTAAAACTTAGAACTGATCACAATAATGAACGATCTGTTTTCCACCGATTCTTCCGCCA  
AGAGCGTCACCATCACCGCCATGGCACCGTCGAGATGTCCAACAACCTCCCGTCCTCAACGACGATCAATCTA  
AACACCTTCTTCGACGACGTGGAGTCGGTCAAGGCGGAGTTAACAGAACTCGAAGGGCTCCACCGAAGCCTC  
CAGAATTCTCACGAACAGAGCAAACTCTACACAATTGAAAGGCGATTAAAGGATGTTTCGATCGCGAATGGAA  
ACGGCTGTGACATTGGCTTTGAAGAAGGCTAGGTTTATCAAGGTCCGGTTGGAGGAACTGGACCGGTGCAAT  
GAGGAGAACCGGAAGCTTCTGGTTGTGGGTATGGATCCTCGGCTGACCGGTGAGAACATCGGTGGTGAG

CGGATTGAGGAAGACGCTGTGTGATTCAATGGAGAGTTTTAACAGATTGAGAGAAGAGATAACGAAAACGT  
ATAAGGATACGATTGAACGGAGACTAAAGAATCATTGTTGCTGAGAGTTGCAACGGCCAGAGAGGAAGTGA  
AGCATGTTAGGAATTTTGATTATGTGGTTGTGAATGCAGATGGGAAGTTGGAGAGTGCCGGTTAAGCTTGTGG  
AATCCATTATTGATGCTGAGAAGGCAAAGGTCTCGCAGAGAAATGCTGTTGTTTAGATTACAGCTTTTGAGACA  
TCATTTTGCAAGGTAACAAAACCTTTGTTATGATATGAGTTTCTTTCTTAGGAAAGTAACTATCATAGATTGAG  
AAGGAAACACAGAATCATAACTAGTCTGTTTAACTCCAGCTTCCTTTATGG

>trans\_c\_3720 AJ010460|Arabidopsis thaliana mRNA for DEAD box RNA helicase, RH8

CATGACTTTCGAAATGGTGCATGTAGAAACCTTGTTTGCAGTATTTATTTACAAGAGGAATAGACATTCAAGC  
AGTAAACGTTGTTATTAACCTTCGATTTCCCCAAGAATTCAGAGACATATCTACACAGGGTTGGACGTTCTGGAA  
GGTTTGGACACCTTGGGTTGGCCGTGAATTTAATCACCTACGAGGATCGTTTCAATTTGTACAGGATCGAGCA  
AGAACTTGGAAGTGAATAAAACAAATACCGCCCCATATTGACCAGGCAATCTACTGCCGGTAATTTGTGGGG  
GGCACTGGATCCTAGGGGCAAACAATTTGCAGGGCAATGAAGCTCCTTGGAAGGACGAAGGATATATGGGT  
ACGACAGGAGGCTTGTCTTCTGAGTGAATATGATGGAAGGAAGACTCAGGTTGTGCAGAGTGTGTGTGG  
GAATTCTACTATTAGTTTAGAGAGCAATAGGCCTGAAGACATTAACAGGAAGAAGATTAGGATAGAATGTAG  
ACTGGTTCCTTCTATAAAAAATGAAAATCCGAGACGAGACGGATGAATTCAGGGTCCCAGTTATTTGCCCTATT  
TTTATCAACTACTGACCTGTTTGTCTTCTTCTGTTTGTCTTCTCTCTCTTTTGCCTCTTCCAACCTTCTTGAT  
GTATTGTAATCTCTCCCCCTCTCTCTCTCTCACTCACTCTCGTTTCTTTATAGACTGCAGTTTCCAATCCTAA  
ATTTAGAACCTTTTCTCCCCAATTTTCAGTTGTTTCACTTACTTGAAGTTAATGGTCACATTTTCGTTTCTATC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3721 XM\_002301057|Populus trichocarpa MADS9, AGL24 mads-box transcription factor (MADS9), mRNA

AACACGTCATAGTCTAATCCTCATTTTTGAACCTTCCTCTCCTTCTCATTCTTCTCCTCCCATATCATAAGGCA  
AAATTGAGAAATGGCGAGGGAGAAAATCAAGATAAAGAAGATTGATAACCTAACGGCGAGGCAGGTCACGT  
TCTCTAAGCGACGGCGAGGGCTTATGAAGAAGGCCGAGGAGCTCTCAGTCCTGTGCGACGCCGAAGTTGCGC  
TCCTCGTCTTCTGCCACCGGAAAGTTCTTTGAGTATTCTAGCTCCAGCATTAAAGATGTTATAGCTAGATATA  
ATTTGCACTCTAGTAACCTTGGAAGTTGGAATATCCATCCATCGGGTTGCAGGCTGAAGATAGCAACCACGT  
CCGATTGAATAAGGAAGTTGAAGAAATGAGCCAACAACCTTAGGCAGATGAGGGGAGAGGATCTTCAAGGAT  
TGAACCTAGAAGATTTGAAGCAATTGGAAGAAAGCTTGAAGTTGGTCTCACACGAGTTCTTACACCAAGGA  
AAAGAAGATTATGAGTGAAATTGATGCGCTTGAGCTTAAGGGAGCGAGGCTGATGGAAGAAAATAAGATGC  
TTAAACAGCAGATGTTAAGTTGTGAATGAGAGATTAATGGCTGTGCTTGTGGATTCTCCGACGTTCTGTGT  
AGTGGTGGAAGAAGGAGTTTCGTCGGAATCCGCCGCCAACGTCTATAGCTGCAACAGCGGCCCTCTGCCGA  
CGACGACAGCTCCGACACCTCTCTCAAATTAGGGCCTCCTGTCCAAATTGAGGCAGAAATACTTTTCGAGGG  
ATGAAGAAGATGCAAAATAGTAAAAGAATAAATGCCACAAATGAAA

>trans\_c\_3722 BT024591|Arabidopsis thaliana At1g64355 mRNA, complete cds

AACCCATCTCTGTTCTCTTCGTCAAGCTCCAACCTTTCCATTTCGTCTCAACTTTTCTGAGCTTTCTCCTTCTTCTT  
TCCCCAATGTTGGAGCAAACCCATACAGGATTTAGTGGAGCCTCACCTCTCAGAAACAGAAGCTTCAAAG  
TAAAAGAAATGGGATTATCTGTGGGGCAATTTACCTGTGGATCCATGGGCGCCCAACATCGATTCTCAGAGC  
ATAGCCTCCCAGATTTTGCCTTTCCCTCTTCTTACATTGGTTTCTTGTACTTCATCACCAAATCAAAGACCG  
CTCCAAGCTCACTCTCTTCGGTTTCTATTTCTTGCTTGCTTCGTGGGTGCTACCATTCCTGCTGGAATATATGC  
AAAGGTTTCATTATGGAACCTCCTGTCTAATGTTGATTGGTTACATGGAGGGGCTGAATCACTTCTCACTCTGA  
CAAATCTTTTCATTGTGTTGGGTTTGAGAGGAGCTCTTAGGAAGTATGGGGAGGCTGAAAACACTACATCCTC



ACCTGTTCTAGAGTTGGAAAAAGAGAAGGCTGTTGTAGATAAATAGTTGTATGTTCCAAACACTTTAGTTGAA  
ATATTTGTTTCTATGGGCTTTGTGCCCTGTAAATATAGGACGAAAAATCAAGCAACGTTGAAAATGTGCATTCT  
CTTTTACTTTCTCTCTCTACTGTTATATAAACTGCCCCTTTGGAGTTGTATGAACATCACTGATCAACCATTAT  
AATTGTGATTCTGTCTTGGTTTTGCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3723 XM\_002892983|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F14D16.29, mRNA

ATTGCTTTAGGTTGAAGGGGGTTTGGTGAAGAACAAAAGAAGCAAAAACAATGGCTACCGCATCACAAATTG  
TAGCGAAATTGAATCTGAAGCCACATCCCGAAGGCGTTTTACTCTGAAACCTTCAGGGACTACTCCGTACAT  
CTCTCCAAATCTCAACTCCCATCCGAGTACAAAGTTGATCGAGAGGTCAGTACTTGTATTTACTTTTTGATGCCG  
TCTGGATGTGTTTCTGCTCTTCATCGTATACCATGTGCTGAGACTTGGCATTTTTACTTGGGAGAACCTCTCACG  
GTTCTAGAGTTGAATGAAAAGGATGGTCGAGTCAAATTGACTTGTCTTGGGTCTGATCTCATAGGAGATAATC  
AATTACCTCAGTATACTGTGCCTCCTAATGTTTGGTTTGGTGCTTTTCCAACCAAAGATTTCAATATTTCTGCCG  
ATGGAACCTCTGACCAAAGCTGCACCAAGGGACTTGAGAATCACTACTCGCTTGTGGGCTGCAGCTGTGCACCT  
GCTTTCAGTTTGAGGACTTTGAGTTAGCAAAACGCTCTGATCTTGTTCACGTTTTCCCGATAGTGAAGCATT  
GTCTCGTTGCTGACACCAGGTGCCTGATTCAACTGAAGAATACCGTACCCTTTTTCTGGAATCATAGCTTAGA  
TTCTGATTATGGGGAGATGTGGATTGTATGATGTGATTTTGGTCTCTGTTTATTTAATATCACAGTGTAGTTG  
AAGCTTTCGTCAGTGGATTTTGTCTATTGGAACCTCTTATGGCTTACTGAAAATAATAATAATGAATAAGGC  
TCTTTTTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3724 Novel Gene

ACTCCTAATCTCTTCTCTATTTCTGACGCAATTTATCCTTATCGTCACCTCGCCGTCGTTCTGGCAATTTCCG  
GTTGCCTATTCTATTCTTGAATTCGGTGAGTTCGGAATACGCAGGGATTCTCCTAGAATGGCAGATAAGGATG  
GAGAAGAGAATAACTCTCGTGGAACGAATGGGAAGTTGTTTCACTCACTGCATCGGCGTATGAAGCTGCTC  
CAAATGTGAAGGAAGATGAGTCGCCTGATGAAAATAACAGCAATTTGTACGAAGCAGAACTTCTCGTGCTCT  
TTTTATGTCCAGGCACTTTGTATTTCCACCGAGTCAGCACGAGAATTTGCCATTGGAACCTGATAAGAGTGAGA  
TTCATGACGATCAAGGAGGGAAGGAGAATGTGGAATCTGATTCTGCTGTTATAGATGGCGGAAAATCTAGTA  
GAAAGAATGAAGATAGTTTGAATTTGGAAGGGTTGGTTGAGACAGATGAGTTTACAGGGATTGGTAAACTA  
TGGAGAAAGGTAGCGAGCTGTCTTTTCATGGTGATGATTTTAGTGAAAATACAACCATACCAGATTTGAATCT  
GGTTGACAAGGAGTTGGATCCCTTCGGTGCTCTACCTATAGTTCTTTTCATGGTGAAACGGATCTTAGTTCCA  
CAACCTTTGATGAAATCCCTCCATCGGAATCTAACGATCAAGTCTCAAGTCCAAAAAGCTTAGAACTCCCAGG  
CTTGATAACAAAAGCAATAAGTCCAGTCTTCCCTGTGGTGCGTGGTGGAAGAGGAGAGCTGCTAATTTATACT  
GTCATGCAAAAAGAAGCAAAGGCATTTTGGTCCATTTTCATT

>trans\_c\_3725 AJ250769|Pisum sativum partial mRNA for cytosolic phosphoglucomutase (pgm gene)

ATCTCCCTTCAATCCCTCCACTTTTCTTCTCATCAACCCATGGCTCGCTTCAATGTCACCAAGAAGCTCACATCC  
CCCATCGATGGCCAGAAACCCGGTACTTCCGGCCTCCGCAAGAAGGTTAAAGTATTCATTCAACCGAAGTACT  
TGGAGAATTTTGTTCATCAACATTTAATGCATTGACTACTGAAAAAGTCAGAGGGGCTACACTTGTGTATCT  
GGAGATGGACGCTATTATTCAAAGGATGCTATTCAGATAATAATTAAGATGGCTGCGGCAAATGGGGTACGC  
CGTATTTGGGTTGGTCAAAATGTTTTGCTTCAACCCCTGCTGTGTCTGCTGTCATACGTGAAAGAGTTGGTGT  
TGATGGATCCCGAGCATCAGGAGCATTTATTTTGAAGTCAAGTCACAATCCAGGAGGTCCTCATGAGGATTTT  
GGGATTAAATACAACATGGAATGCGGCCCTGCACCAGAAGGAATTACTGATAAGATCTATGAAAACACA  
AAAACCATAAAGGAGTACCTAATTGCTGAAGATCTACCTAACGTGGATATTTCCGCAATAGGTGTTTCTAGCTT

TGGTGGACCTGAAGGACAATTTGATGTTGAGGTTTTTGATTGAGCTAGTGACTACGTGAAGTTGATGAAGTCA  
ATATTTGATTTTGAATCTATCCGCAAGCTTCTAACCTCTCCCAAATTTTCGTTCTGTTATGATGCTCTACATGGTG  
TTGCTGGAGCTTATGCAAAACGTATTTTCGTGAAAGAGCTTGGTGCACAAGAAAGCTCATTACTGAACTGCGT  
ACCTAANGAGGACTTTGGAAGAGGTCATCCTGACCCC

>trans\_c\_3726 Novel Gene

TTCTTCTCGCAGGAGGGTCTCAAGTTTTGTAGAGAATTAGCATCCGCCGCCATGGTTAAGTATTCAAGGGAGC  
CGGATAACCCCAACCAAGTCCTGCAAAGCGCGAGGATCCGACCTCAGAGTCCATTTTAAGAATACACGTGAGAC  
TGCTCATGCCCTAAGAAAGTTGCCCTTGGCCAAAGCAAAGAGATACTTAGAGGACGTTCTTGCCACAAGCAG  
GCTATACCATTCGACGTTTTTGTGGAGGTGTTGGACGAAGTCTCAGGCCAAAAATAGGCATTCAAATGGAC  
AAGGACGCTGGCCTGTAAATCTGCGAAATTTATTCTAGATCTTCTTAAGAATGCTGAGAGTAATGCCGAAGT  
GAAAGGACTGGATGTTGATTCCCTCATCGTATCCACATTGAGGTGAACCAAGCTCAAAAGCAAAGGCGTCGT  
ACATACCGTGCTCACGGAAGAATTAACCCCTACATGTCGTCTCCATGCCACATCGAGCTTATTTTGTGAGAAAA  
GGAAGAACCTGTCAAGAAAGAGCCTGAGACCAATTGGCAACGAGTAAATCCAAGAAATCGCAAGCCCTCCG  
CAGTGGTGCTTCGTCTTGATCTATATTATTGCTGCACTAAGTGTTCTTTTTTCTTTTAAAAAACAGAGGTTT  
GTTTCTTTGATCATTATAGAATCCTGCTCAGAATCCATTGCCCCCACTTTGTAGTTTACGAAATCTCGTCGATC  
ATGTTTTATTTATTAGGAATCATCTCCCAAATTTGGATTTCCGTTTCTTTAAGCAGAGTTTATACATCGAGACT  
TTCTTCACTCTCCCCTCTGTTGGTTCACGTTTGCTT

>trans\_c\_3727 HM209439| *Solanum lycopersicum* cultivar Micro-Tom glycosyltransferase gene,  
complete cds

AATTCTCATTTTCAATCTCACTTTCTTTCTCTCTACTTGTCTTTACTACATCTTCAATCATCAACCATGGAAGCT  
CACCCCCCGATCCCTCATTTGGCCATTTTACCAAGCCCTGGAATGGGCCATTTGATCCCACCTTATCGAATTCGCC  
AAACGCCTCCTCTCCCACCATCGTTTAACTTCACTTTCATCATCGTTCCGATGGTCCTCCGTCTCAGCCTCAAC  
AAGCCCTCCTCAATTCCCTTCCCTCCGGTATCGATCATCTCTTCCCTCCTCCACTCAGCTTCGACGATCTCCCACC  
AGATTCCAAAATTGAAACTATCATCACTCTAACCATTTCTCGCTCTCTCCCATCCCTAAGAAACGTACTCAAATC  
CATGGTTCTCAATCCAACCTCGTCGGCTTGTTGTCGATCTTTTCGGCACCGATGCCTTCGATGTAGCCAGAG  
AGTTCAACATTTCTCTTACATATTCTTCCCCTCCACTGCCATGTTACTCTCCTTTGCTCTGTTTTTACCCAAACTC  
GATGAATCTGTCGTCGGGGAGTTCGCGGACCATCCTGAACCAATCAAATCCCGGGATGTATTGCAATTGAAG  
GCAAGGATCTATTGGACCCAGTTCAAGATAGGAAGAACGAAGCCTATAAATGGACGCTCCACAATGCAAAGA  
GGTATGCTTTAGCAGATGGGATTTTTCTTAACAGCTTCCCTGAATTAGAGCCTGGAGCTATAAAGTATCTGCGA  
GAAGAAGAACCAGGGAAGCCCTCGTTTACCCAATTGGACCGTTGGTGAAATCGACGCAGATGAGAAGGA  
AGAAAGGGCAGAGTGTTGAAATGGCT

>trans\_c\_3728 NM\_118038| *Arabidopsis thaliana* integral membrane family protein (AT4G19185)  
mRNA, complete cds

ATGCACAGCCAAACACCATCGACCAACATGACAGTCAACTGAGCGCCACCGTCGTCTTATCATTTTCTCTCTG  
TTTCATCGTTCCATTCATCTCTTTATAAGGAACTGGATCGGAATTTGATCCTGTGTCGACGCCCCACCGCG  
AGAGGGATGGCGGCAGCGTTCGGAGGAGTTACTGCTAACGGCGCCGTTTTATGATCGGCGGTGGAGATGT  
GTCGAAGGCGCATGCGGCTATGGCTTTGGTGCAATTAATTAATGGAGGTTACCATGTTATAACCAAAGTTGCC  
CTCAATGTTGGGATGAACAGCTCGTCTTTTGTTTCGTTCCGTGACTTGTTGGCTCTCGCGATTCTTGCCCTGTC  
GCTTATGTTTCGGGAGAAGTATAGGCGGATTCGTTTGCCCATGACTCGGGACCTTCTCATATCCTTCTTTGTTCTT  
GGTTTAACTGGGATTTTTGGTAACCAGCTTCTTTTCTCGTTGGACTTGGCTACACTAACCCAACTTATGCTGCT  
GCCATACAGCCTGCCATTCCAGTTTTTACATTCTTTTTGCAGTTATGATGGGCACAGAGTCTGTAACTTACTC

AAACTGGAAGGACAGGCAAAGGTTGGAGGTACACTTGTGTTGTGTCTCTGGTGCGATATTGATGGTTTTATTCC  
GGGGTCCAGCTTTGGTTGGAAACACTGAATCTGATTTTCATGTCACATAATGAAATAAGTGCAAGGGGCCAGCC  
AGAGCTGCTGGATGGTTAATGTCTAACTTTCTGGAGTATGGATTGGACCATTTTCATGTTGGGGTTTTATGCT  
TGATAGGAAACTGTATGTGCATGGCTGCTTTCT

>trans\_c\_3729 AB027000|*Solanum tuberosum* PCAS-1 mRNA for beta-cyanoalanine synthase,  
complete cds

TCACAATAAGTTTGCTTTGTTTTCGGGTAATTTTCGCAAGTCTGAGCGCAGCGACGGTATTGGCTCCGGATGAT  
ATTCCCACCATTAAGTCCTTCTTTACTGCTAGTTCCTTAGCCATGTTTACAGCATCTTCACTGCTTACCTGAGTAT  
TGGCAGGGTTTGAGAATTGTTGGAGCATGAAACCATTAGGTGTGGATTCCAAAAGATCATAAGCACCCCTGA  
CAGTACCTCCCATGCCTTTAGTTGGATCCGTTAAATCAACTCAGCTCCAAATGCTCTCATTGTAACCTCTCCTCT  
CCAAGCTTGTATAAGAAGGCATGGTTAGAACCATTTTGTAGCCTTTCAGGGTAGCCATAAATGCCATACTGAT  
GCCCATATTTCCCGACGTTGGCTCAATTAAGTCGTCTGTCCAGGAGTAATCAGGCCTTTCTTTTCAGCATCGTT  
GATCATCGCGAAGGCCGGTCTGTCTTTGATGCTGGAAGTAGGCTGCATCATTTCTTGCTTAACAGCTATGTAA  
GCTCCACAGCCCTCAGTGACTTTGTTAAGATATACCAATGGAGTTTTCCCAATGAGATGAGCAGCATCTCGTCT  
AACACTAGTTCAGGAAGATCCTTAGGCAGATCTCTAAGTCTCTGAGCGAAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGA  
AGAAGAGTCAAGAACTGTTTGGGTGGAGAACAATTTCTGACGGTCGTGAGCAACCGTCCGATGAAATCCC  
TGCTTTCTGCTTCACCAAACCTCCTTAAAGCAGCGGCAGCCATTGATGTGGATTACAGGACCGCTGCTTCTTAGG  
AGAAATTAAGAGAGAAGAAGATGAGATTGGGAGTGAT

>trans\_c\_3730 NM\_130125|*Arabidopsis thaliana* oxidoreductase family protein (AT2G45630)  
mRNA, complete cds

AGCCACAAAAATTTTATGTATTTTGGTAAGAGCAGCGCCTTACCCAAAGCCAAGAAGAAGAATGGAAGAAG  
AATCCGAAGGCCATGGCAAAAACCTTCATCAAGTTTTGGTTTTAGGTTCTCATGGGTATTACCCGCTCTCCGA  
TCTCAATTCTCAAACCGATTCCATTTCTCATACCATCTCTTCCGATCTCCCTCTTCTCAATTCCTTTCTTCTTAT  
GCCCAATCCACACAGGCCTTACTCATCCCCGGCGGCTGCTTTCTGGTCACCTCCGCCGTCTCGATTGCCTTCC  
GGCGCTCAAGCTCCTCGTCACTACTAGCGCCGGTGTTGACCACCTCGACTTGCCGGAGTTACGCCGCCGTGCGG  
ATCGGTATTGCCTATGTTCCGGACTTGTAAGATGTCGCTGATCTTGCTGTTGGATTATTGATTGATGTT  
CTCATGAAGGTTTCGGCGGGGAGATCGGTTCTTTAGGCTGCGGCTTCCGCCTACTACCAATGGGGATTTTCTCTC  
TTTCCGATTAAAGTTAAATGGGAAAAGGATTGGGATAGTTGGCTTGGGGCAAATAGGGTCCAAAGTTGCCAA  
AAGGCTGGAGGGATTTGACTGCAAAATCTCATATAACTCAAGGACCAAAAAGCCATTAGTTCCATACTCATTC  
TACTCCAATGTACATGAAGTTGCAAGCAACTGTGATGGCCTTGTAATTTGTTGCGGGTTAACGAAAGAAACCC  
AACATATGATCGATAGGGAGGTGATGGTTGCATTAGGAAAAGATGGAGTGATAATCAACGTTGGTCGAGGG  
GCGATAATCGACGAGAAGGCGATGGTTGAATGTTTGA

>trans\_c\_3731 NM\_001055683|*Oryza sativa Japonica Group* Os03g0178000 (Os03g0178000)  
mRNA, complete cds

AATCCAATTGCCATTCTCCATCTCTCGCCGCAAGGGTTTAAGAGCAGCTTCTCTCCTCAGTTCTTTTACCTAATA  
TTCAAGCATGGGTAAGGAAAAGACTCACATCAACATTGTGGTCATTGGCCATGTCGACTCTGGCAAGTCGACC  
ACTACTGGCCATTTGATTTACAAGCTTGGAGGTATTGACAAGCGTGTTATTGAGAGGTTTGAGAAGGAAGCTG  
CTGAGATGAACAAGAGATCGTTCAAGTATGCCTGGGTGTTGGATAAGCTTAAGGCTGAACGTGAGCGTGGA  
TCACAATTGATATTGCTTTGTGGAAATTCGAAACCACCAAGTACTACTGCACTGTTATTGATGCTCCTGGGCAT  
CGTGATTTTCATCAAGAACATGATTACTGGAACCTTCTCAGGCTGATTGTGCTGTCCTTATCATTGACTCCACTACC  
GGAGGTTTTGAAGCTGGTATTTCTAAGGATGGGCAGACCCGTGAACACGCCCTCCTTGCTTTACCCTCGGTG

TCAAGCAAATGATTTGCTGCTGTAACAAGATGGATGCCACCACTCCCAAGTACTCCAAATCTAGGTACGATGA  
AATTGTGAAGGAAGTTTCTCCTACCTCAAGAAGGTTGGCTACAACCCAGACAAAATCCCTTCGTTCCCATCT  
CTGGCTTTGAGGGTGACAACATGATTGAAAGATCCACCAACCTCGATTGGTACAAGGGACCAACCTTCTTGA  
GGCCCTTGACCTGATCCAAGAGCCCAAGAGACCGTCTGACAAACCCCTTCGTCTCCCACTTCAGGATGTCTACA  
AGATTGGAGGTATTGGAAGTGAAGTGACAACTACAC

>trans\_c\_3732 NM\_001189359|Oryza sativa Japonica Group Os10g0575950 (Os10g0575950)  
mRNA, complete cds

AATCGAATGAATACACCGTCCCCGGCCAATTCTTCCGCTTCCACCACGGCGGTTGCCGGAAGGTGTAGCACTA  
ACGCCGCACTGTCGCTTGACGATTTTCGCTTTCCTCTAATTTAATTTCCGTACCAGAGCGCAAGGACGAGGCC  
ATGACCGCTCTTAAATCTAATATAATGGCTGCACTGAATAAGGAGGTCAAATCCCTAGATGATGATAACTGGA  
TGTTTGAAGGTCCTCGCTCCCGTATCAACCTTATGTCACGACAAGGTGGCGCTTTCCTCAAAAAGACACAAGA  
GAAAAGAAGGTAATGGATCAGATTGATGAGAATGATCTTCATCTTGGAGAAATCTTGTGATTGTGCTGCGACA  
ATAAGGTTTCATTTATTCAATCAAGTAATCAATTCCTCTTTTTTCAGTCTAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGATGT  
AAAGAGTTTGCTAATAAAATACTTGTCCAAATGAAACCTTGCAAACATAGAATTACGTGAAACACTTCTAACCTC  
TTGTTTGAATTGACTTATCAAGTGCTTAAAAAAAAATTCCAAGCGAAGAAAATGTTTTTTAAGCACTTAAAAA  
GTCAATCAAATAGATTATTAACATTGATGAAATGATTTAATTCATCCATCAAAAATATGGATCCAGTGCAGTTG  
GCATCCCATAAATGGACGATAGTTCATAAAATATCTCATAGTAGGCTCGTGGAGATCTGTACCTTAATTGAAATT  
TAATGGAAATCTTGTGGTATTTTGTAAAAA  
AAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3733 NM\_129396|Arabidopsis thaliana AGT3 (ALANINE:GLYOXYLATE  
AMINOTRANSFERASE 3); alanine-glyoxylate transaminase/ catalytic/ pyridoxal phosphate binding /  
transa> (AGT3) mRNA, complete cds

ACACTTCACTTCCTCTTTTTCTCTCTGCCTTCAAATTCAGCCACATTCCTTGTCATTTCTTGAAGGCAGAAGAA  
CGAAGAACGATCAAATATTCCTTTCAATGCAGAGCTTTATTCGCCGGAGGTTGTTTTGCCGTCCAGCACCTCC  
CTGTCCCGCTCCGTTACTTCTCTCAGCCCGCTCATAACCACCTTCTCTTCACAATGACGTCCCTCTTCCTTCTA  
TTCCCCCTTCGATTACTCCCCTCCCCCTTACAATGGCCCTTCGCTGATCAGATCCTCTCCAAGCGCAAGGAGT  
TCCTCAACCCTGCAATATGTCACTACTACCGGAATCCGTTGCTTGTGGTAGATGGAAGATGCAATACTTGTTCTC  
GATGACAAAGGCCGTAGATATCTGGACGCTTTTGGCGGGATTGCGACGGTTTGCTGTGGACACTGTCATCCG  
GATGTGGTGGAGGCCATTATCAACCAAACCAAGCGTCTCCAACATTCCACTGTTCTCTATCTAAATCAGTCCAT  
CTCTGATTTTGCCGAAGCTCTGGCTTCGAAGTTACCGGGAGATCTTAAGGTTGCTATTGCTTTTCTTTCTCAAC  
CGGAAGAAAGTAGTAATTAATAGAAAAGAGAATAATATTAGCGCCGCTCACTGTTTTCTTTGTTCTTGCAAGTA  
GTGTATCATAATTGAGTTGTAAGTCTGTTCCAATCACGTTTCACCGTAAATCACATATGGTGGAACCATCTACCA  
AAATTAATTTTGGGTTGTTTAAGATACAAACAAGCTTTTGGGTTGTCCCGGTTACAGTTTGTAGTTCAATGAGC  
GTTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3734 NM\_001053947|Oryza sativa Japonica Group Os02g0612300 (Os02g0612300)  
mRNA, complete cds

CCCATATCGATTTGCCTTCTCTTACTATTGCTCCAAAATCGTCCACCACTGGCCGCGCGCTCCAGGTCTGAAA  
GGCTGCCGTTGCCGTTGGTTGACGCTCGACAGAAGCTTGTTGTTTGCCGATTACCTTTTTCTCAGCGTCGAGAA  
GAACGCCCAACTCAGCAAGCATCATTGTTGTGTCTCTGGTGCGAATAGAGTCAGTTGAACGAGCTTTCATTTTA  
ACCGCTCTAATCTCTGCTCCTCTGCTTCTTTCTTTTCCCTTCTGTTCTTCGCCTTGAGTAATTAACGTCCCAACT  
TCCCAACACTTGATATATAGTTGCTCTACCTAACTGGGTTTCGAGTTTGGTCCAGATTTGTTGTTCTAGGGT

TCATGGCTTCGTTGTTCAAGGACCCAACAAAGCTATCTGTTTATCGGGATAGAAGATTTTCATGGATCACAAGAT  
GAATTTGAAGTGGCACTTCAGACTTCAACCACTGTTTATGTGGGAAATATGTCCTTTTATACGACAGAAGAGC  
AAGTATATGAGCTTTTTTCTCGAGCTGGAGAAATTAAGATAATCATGGGTTTGGATAAGAATTCAAAAAC  
GCCTTGTTGGCTTTTGTCTTACTATTCTCGGGAGGATACCGAGGATGCTGTTAAATATATAAGTGGAA  
CAATTCTTGATGATCGTCCCATCCGTGTGGATTTTGATTGGGGATTCAGGATGGCAGGCAATGGGGCCGTGG  
TCGAAGTGGTGGACAGGTGCGCGATGAATATCGAACAGACTATGATCCTGGTAGAGGTGGCTATGGAAAGTT  
GGTTCAGAAAGAGTTGGGAGCACAGAGGCAGC

>trans\_c\_3735 BT030054|Arabidopsis thaliana At4g27490 mRNA, complete cds

GAGTTATTGCAGAATTAACCCCTTGTCTGGCGCCCTACCGGCTTCCAAGGTTCAATTTCCAATCGTTGGCTC  
CTCGGTCTCTACCAAAACACACATACTCCTTTCAATCTCTTTGAACTCTTAATAGAAACCGATCGATTCTGGGT  
TTGTGTTTATTACCTCCACGGCCTCAGGAAATTTGTGGCGGAGCCTTCTAATTGTCATCGGAGTCATTATTG  
ACGTTCTGAATGGCCAAAAAGCGACACCAACTACCACCACAACGTATTCTCCGTCTCCTACTGTCCACAAAAAC  
CAGGCCACCCCTCTTCAGAACCGACGACGTCAACTGGGTTTCGCCCCGATGGCCGTGGCTTCCACCAATGCCGG  
CCTGCTTTTTTTCAGGACTGGAGCTGTAAATGCTGCTTCAGGATCTGCTTATGCAGAATTCGGTAATACCAAGGT  
CATTGTTTCTGTATTTGGCCCTAGAGAAAGTAAGAAAGCAATGATGTACAGTGATATTGGCCGGCTCAATTGT  
AGTGTTAGTTATACAACATTTTCCACTCCAGTTCGTGGACAGGGATCGGAAAAACAAGGAGTTCTCCTCAATGTT  
ACATAAATCTTTGGAAGGGGCAATAATATTGGAACATTCCCCAAAAACAAGTGGACGTATTTGCCTTGGTG  
TTAGAATCTGGAGGCAGTGATCTTCTGTTGTAATATCATGTGCCAGTCTTGCTCTTGCTGATGCTGGAATTAT  
GCTTTATGATCTCGTTGCCTCGGTTTCTGTGAGCTGCTTTTGAAGAATCTTCTTATTGATCCTATATTGGAAGA  
AGAAACTACCAAGATGGAAATCTTATGATAACT

>trans\_c\_3736 X69378|M.crystallinum mRNA for ribosomal protein YL16

TCACGATGCCAAGCCCTAAGCTGCTGTCCAGCTGAGAAGCCGCCGAAGTTTTACCCTGCCGATGATGTGAAG  
AAGCCCCTTGTTAAACAAGCGCAAGGCCAAGCTCACGAAGCTCAGAGCTAGCATTACTCCTGGTACTGTGTTGA  
TTATTCTTGCTGGGAGGTTCAAGGGGAAGAGAGTTGTGTTTTTGAACAGCTGCCATCTGGGTTGCTCCTGGT  
TACTGGGCCTTTTAAGATTAATGGTGTTCTCTGAGACGGGTGAATCAATCGTATGTGATTGCAACCTCCACCA  
AAGTTGACATCTCTGGAGTGAAGTCCGAAAAGTTTGACGACAAGTACTTCTCCAAGGAAGCCCAGAAGAAGA  
AGAAGAAGAGTGAAGGGGAATTTTTCGAGGCAGAGAAAGAGGAGAAAAGTGCCCTCCAGCTGAGAAGAA  
GGATGACCAGAAAGCCGTGGATACACCATTGATAAAGTCTATTGAGGCGGTTCCGGAGTTGAAGGCATACTT  
GGGAGCAAGATTTTCTCTCAAGGCTGGAATGAAACCTCATGAGCTTGTCTTTTAGATAAGGGATTTGGTTCTTT  
TTTCTTTTTTCTTTTAAATTTTATTATCGTTTCTTCTTACAAAAATTATCACTTTGTTTTATGTTTCATCTGA  
GGTATGACTTGTAGTAATTGCCTAGTCCCAAATTTTGATTCTAAATAGAGATTCCATGTCTCGTAATTTCTCTT  
TCCTTATGAAATTCTGTTTTAGGTTCTAAATTCATCAAAGTTTCAGGTTTTCGAATTTATTATGATACTTTT  
GACTAGATGACAAAAA

>trans\_c\_3737 AB056453|Vigna unguiculata VuP5CR mRNA, complete cds

TGCATACGCAAAAATAAAGAGAAAAATAAAAGATCCAAACAAAAACGAAAAAAAGCGAGTTTCGTATCC  
TTCAAAATGGGATTTGCGGTTGAGCCGTTACTGTGGATTTTGATAGGCGCAACCGGTGCCCCGAGAAGAGC  
TTTTGATCGGAATCAATGGAGGTCCTTCCCATTTCAATTGATGCATACAGATTAGGGTTCATCGGAGCTGGAA  
AAATGGCTAAAAGTATAGCTAAGGGTATTGTCCAATCTGGTCTTTTACCTCCTTCTCGTATCTCCACGGCTGTT  
ACTCCAACCTAGTCGCGCATTGCCTTCAATCATTTCGGCGTTAGAGTCCTTCCAAGAACGATAACGTGGTT  
GAAGAAAGTGATGTGGTCATTTTATCTGTTAAGCCTCAAGTTGTTAAGAATGTGGTGTTGAAGTTGAGGCCTC  
TACTCTCAGGGAAGAAGCTTTTAGTTTCAGTTGCTGCTGGGGTAAACTGAAGGATCTACAGGATTGGGCAG

GTCATAACCGATTTCGTTAGAGTTATGCCAAATACTCCCGCGGCTGTTGGAGAGGCTGCATCAGTTATGAGCTT  
GGGAGAAGGTGCAATAAAAGAGGACGGACAAGTAGTAGCTAAATTATTTGGATCTGTGGGTAAAGATATGGG  
AAGCTGAGGAGAAATACTTTGATGCAATCACTGGTTTGAGTGGAAGTGGACCAGCATACATATTCCTAGCAAT  
TGAAGCTTTGGCGGACGGAGGAGTTGCTGCAGGTCTACCACGAGAACTTGCAATGGGTCTAGCTTCTCAAAC  
GTATTAGGTGCAGCCTCCATGGTGAATAAACTGGGAAGCATCCA

>trans\_c\_3738 AJ004899|Glycine max mRNA for rudimentary enhancer, partial

TTCACTACGTTTCTCCATGGTAATTTACACCCTTTTATCCAACCTTTTCTTCTTTACTTTTCCTTTATACTTCT  
TTCAATCGATTAAGCTTCAATCTCACATTCCTGGCACGAATTTGGCGTCTCCACTTATTTGAATCTTATTAGGGT  
TTCCTTACCAATCTGAAACGCGTCCCAATATTTGCGATTTTAAAGTATTCATCATCTCACTATGTTTGTCTACTC  
AATGAACTTATCAAATAGTATCTGCTAACAGGCACACCATCTTCTTATGCAAACCTCACACAACAGGGCAACT  
AGGACTTTTATGGATTACGATTCAATAAGTCAAGCTATGGATGGTATATGTGGGCTGTATGAAAGGAAGCTTA  
AGGACTTAAATCCTGCCATCAGAAATATCACTTATGATATTGCTGACCTCTACAATTCATTGATGGCCTTGCTG  
ATATGAGCGCTCTAGTCTTCGAACATTCAATTCAGGCTTATTTGCCTTATGATAGGCAGTGGATTAAACAAAGG  
ATATTTCAACATCTGAAGAACTGGCACATTGAGACAATTATATATGAAGGCGTTGCATCTGTTCTCAGTAACA  
TTATAAACTTCTGCATCATACTATCAAGTTAAAGATGCTCTTGTATGAAGTGTAGAAATTTATCCCGTCTTCTCT  
GCCCCGCTTATGATCTGTGGGGTTCAGTTATACATGAATCTGAACCTTTCTTGTGTGCATCTGTGTCTAAATTGT  
GTTTTCTATCCTTTACAGAAAATATTTGTTATAATCTACAAGTTTATTGCCTGTTGGCTTTTGCCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3739 EF063567|Actinidia chinensis G6PD1 (G6PD1) mRNA, complete cds

ATTCATTTGAGTTTCGGCCACCTTTGAAGAAGAAAGAATACGGACAGTAGAGCCATAGCTTAAGACATGGA  
ATCTGGATCATGGCACGTTGAGAAAAGATCTTCTTAGAAATGACTCTTTACAGGAGAGGACAATGTGCCG  
GAACTGGCTGTCTCTCCATCGTTGTGCTTGGAGCATCTGGAGATCTTGCTAAAAAGAAAACCTTTCCAGCTCT  
CTTCCACCTTTTGTCCAGGGATTCTTCAATCAAATGAAGTTCACATTTTGGTTATGCGAGGTCAAAAATCTC  
TGATGATGATCTAAGAAACCGTTACGTGGATATCTTGTCCAAGGCCAAACTACTGACTCAGAGCAGTTAGAA  
GAAGTATCCAAGTTTCTGCAGTTGATCAAATATGTAAGTGGGTCATATGATTCTGCTGAGGGTTTTCAGAAGT  
TGGATAAGGAAATTTAGAGCATGAGATTCCCAGAAATAGTATAGAGGGATCGTCTCGCAGGCTGTTCTATTT  
TGCACTTCTCCATCGGTATATCCATCTGTCTGCAAGATGATCAAGCATTATTGCATGAATAAATCTGATCTTGG  
TGGATGGACCCGATTGTTGTGGAGAAACCGTTTGGCAAGGATTTGGCATCTGCAGAGAAGTTAAGTTCCCA  
GATTGGAGAATTGTTTATGAACCAAAATTTATCGTATCGATCACTATCTGGGGAAAGGAATTGGTTCAAAA  
TCTGTTGGTACTTCGTTTTGCAACCGGTTTTTTTGGCCCTTGGAAACCGTGACAACATTGCTAATGTACAGAT  
CGTGTTAGGGAGGATTTTGGTACTGACGGGCGTGGT

>trans\_c\_3740 AJ577264|Quercus robur partial mRNA for expansin-like protein (ORF1)

ACTCAAATCCTTTTAGAACAAAATGCCTTTCTTCTCCTCTCTTCTTCTCTCCCTTTTCTCCTCAGCCACTGCT  
TGTGATCGTTGTATTCATCAAGCCAAAGCCGCTTCTACCAAGACGAAGCCGCCGGTCTATATAGAGGCGCTT  
GTGGCTATGGCGATCTTACATTACAGCTCTCAAATGGCTACTTCTCGCCATTATGCCTCTCTTTACAAGTATG  
GCGCTGGCTGTGGCGCTTGTTCAGTAAGGTGCAAGAACGAGAAGATTGTAGTAAAGAAGGGACGAAA  
ATTATTGTAACGGATCGAAACGACAATACTTATACAGGATTGGTTCTTAGTCAGAAAGCTTTTGGTGAAATGG  
CTGTGAGTGGAAAAGATGGATTGCTTTGAGTTACGGAGTTGTGGATGTTGAATTCAAGAGGATTCTTGTGA  
ATACAATAACTTAACTTGATGGTTAGAGTAGAAGAATGGAGTCAATATCCAAATTAAGCTATTAAATTGCG  
TTAACCAAGGTGGCCAAACCGAAATAGTAGCCATCGATATAGCTCAGGTTGGTTACTCGAATTGGGATTACAT  
GGGTAGGAACTACGGTGCTGTGTGGGAGACTAAAAAACAGCTCCAAAAGGACCATTGCAATTACGGTTCGT

AGTTACTTCTGGATATGATGGCAAATATATTTGGGCTAAACACGTACTTCCTGCTGACTGGAGACCTGGACTA  
GTTTACGATACTGGAGTTCAAATCTACGACATTGCTAAAGAAAGGTGTCCAACAGAACAGTGTGGCGATGGA  
CAATGGAAACGACGATAGATAAATCACGACTCAACTCCTC

>trans\_c\_3741 NM\_100866|Arabidopsis thaliana TRAF-type zinc finger-related (AT1G09920) mRNA,  
complete cds

TTCGTGAAATTCATTCACTTGATTACAATTTACAAGTAGTTGAATCCAAGTCGGTCGGTCTTCGTTCTCCAAACG  
CCATCGATCCACGGCTACAATTTCTAGCGCTTCAATTCTCCATCCCCTAATTTTGACATAATCCGACATTCAGGG  
ACGATCGTCTTCTTCCGTTCCGATGGCTGTTGCATCTGAAGAGACCACAAGCATATGCAATCACTGCGGAAG  
AGATATTCGTCATCAAATATCGATCTGCATTCTGTTTCATTGCGTGAGGAATCTTGAAAAATGTAAAATATGCG  
GCGATATGGTTCCTAAAAGACATGCGGAAGAACATTTTTTGAACACACATGCGCCAGTTTCCTGTTGCTGTGT  
AGCGAGACCATGGAGCGGGACATTTTAGCAATTCATAAAGGTGAGAATTGCCCCAAAGGATTGTCACTTGC  
GAGTTCTGTGAGTTCCCATTCAGCAATAGATTTGGCTGAACATCAGGAAGTTTGTGGTAACCGGACTGAAC  
TTTGTCTCTTTGTCGTTGTTATATAAGACTACGAGAACGATATAACCACGAAAACAATTGCAAGGGTATTGTA  
CCTGCTGATAACATTGCAGAATCTTCCAGGGATGTGGGGGCAGCACCAGAAAGAGATCATCAAGCTAGAGAT  
CGAGGTGCTCAAAGAAGACAGCCACAGGAGTTTCTACTCGTCGTCTTATATTCACTATTGCAATAACTGGTAT  
TGCCGTTCTATTAGGATCCCTATTTTTCCAGAGGAAGAGCGAGAGCAACATCGTACACTGATTACCACATAGTC  
CTACAGAGTGGAGAAATGGTCTCCATGNTAAAAAAA

>trans\_c\_3742 NM\_001058335|Oryza sativa Japonica Group Os03g0832300 (Os03g0832300)  
mRNA, complete cds

AGGTAAGGGTTTTGCTGTTCTTTGCTCATCGCCGTCGCCGATTTCTTTCGATTCTCAACAGAGACGCCCCAAT  
TCTTTCGATTCTCACTGCAAAATCACCAAACTACTGTTGCGTTGTTGTTTACAGAAAATGGAAGCTGGAGAT  
GATGGAATTGAGAGGCTGGTTGATTGCAAGGATATGCAACAACAGAGCAAAGCCTTCGATAAGCTCACTGAT  
CGGGTTGAAGACCGTCAACTCGATTCCACTCGTGTTTCAGGAGGCAATGGCATCTATTGCTGCATCGGCTGAAG  
CCGATTGGAACGCTATGATGTTGAGAGAGAAAGAGCTTGCTGCTGTCAAGATAAATGCGGCTGACGTCGACA  
TAATCGCAAATGAACTCGAGTTGGACAAGAAGTTGCCGAAAGAACGTTGCGAGAGCACAAAGGCGACGCT  
GTTGCTGCTATACGGTATTTACTACATTAAGCGAGTCTCTAACTTTGAAGAGACCCAAAGCCTTTTGTAAC TTC  
AGATTGTATGAAAATGTACCCTTTTTTATTTTGCTGGAAGTTTCTTCTTTTCTTTTCTTTTCCGCTCGTTTGTA  
AACTTGAACACTATTTCTTATCCTGACCGTACACACATCTTCTTGTTGAAGGAGGGGATTCCATCAAAGCCAT  
TTGATGAGGGCCAAATGATCTTTTGTTAGGTAGAAGTGTTGAAAACGTCTCTATGTGTTACGGGATTTGTA  
GGGTACCCTCTAAATGGTTCTTTCGTAGATGGAAAACAATACATAGGACTCTAAAAATTATGTTATGAATTTT  
TTATTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3743 NM\_121886|Arabidopsis thaliana SCL28; RNA binding / nucleic acid binding /  
nucleotide binding (SCL28) mRNA, complete cds

ATCATGTCATGGGTGGACGTTTAAATCTTGAAGCGGTAGGGTTTAGGGCATGATTTTATCTCCAACCCGATCG  
TCTCCTTCCCTCCCTCCAAAATATTCGAAGCCCATCATTAGACTCATTTTCTTCTCCCAAATCCCATTAGGGTT  
AGGGTTCTCACTGCTTCAGTTTCCGAGTAAGACACGCTAATAACCCACTATGGCGAGGTACCGGAGCCGGAGC  
AGAAGTTACAGCCCTCGCCGGCGTAGTAGAACCCACCACGCGGGCGGAAGAGGTATGACGATGACCCTCGA  
GACCGTTACCGCGAAAGCAGGTCTCATAGGGACCGTCGTTCTCCTGCTCCTTCTGGGTTACTCGTGCGTAATCT  
TCCGCTTGATGCTAGGCCTGAAGATCTTAGGATCCCGTTTGAGCGATTTGGTCCTGTTAAGGACGTGTATCTGC  
CGAAGAATACTACTACTGGGGAGCCTCGAGGATTTGGATTTGTGAAGTTTCGGTTTGAGAAGATGCGGCTG  
AAGCAAAACAACAGCTAAATCATACAGTTATAGGTGGACGGGAGATACGAATCGTATTTGCTGAGGAGAACA

GGAAAACTCCTCAAGAAATGCGTGTGACGTACGCTCAAGTGGTAGAAGCTACAGAAGACGTTCTCCAGCAA  
GGTCTCCGAGACGGCGATATCGTTCTTACTCGCGCTCACCTTACCTGCCAGGCACGACTCAAGGAGCCGTGG  
GGCAAGGGATGAGTATCTATCTCCTGCACGATCGAGATCAATTCACATTCTCGTTCCCCTCGTGATAGGCAG  
GATTACAGCCGATCTCCTACTCCAAAGATAATGGTCGCAGCC

>trans\_c\_3744 BT029386|Arabidopsis thaliana At1g67060 mRNA, complete cds

ACTCCGGTTCGAGATGAAGTCCCCAATGGTCTCCTCCGTCGTTTCATCCGTCGTCGGAATTGCTTATCCTCTCTCT  
TCTTCTTACCTCCGCCTTCCGACGGCCTATTACTGATCGGAATCCACACTCTCTCCTTCGCCGAGCGTCAAATG  
AAACGGCATTTCATATAATCTTTACTCTTTTTTGTAGATCTCAGTCTCTGAGTTAAGCCACTGAAGATTAAT  
CGAAGACGAATCAGGCAAGCCGAGTTTCGGATTTCTATCGATTAGTTTAATTCTTGCGAATTCATCAAAATGAA  
ACCTAATTGGGAGCTTAAGCACTGCTGCAATCACGAGCAAGTTGTGTTTCTGATCACCGTTTCTGTTTGTACGG  
TTGTTATATTAGCGCTCTGGAGGACGATACTGCTGAAACCATTCAAATTGTACCCGTGTTTCTTCATGAGGCC  
AGCCATGCCATTGTTTGCAAGCTTACCTGTGGTCATGTAGAAGGAATTCAGGTTTCATGCGGACGAAGGTGGTG  
CTACGCAAACACGTGGTGGCGTGATTGGTTGATCTTACCTGCCGGATATATTGGCTCATCTTCTGGGGGAT  
GCTCTTAATACTAGCATCTACAAATCTTCTTACTTCCAGAATAGCTGCTGGGTGCTTCTTGTTCCTTCTTGT  
GTACTTTGTGTAGCTAAGAATTGGACACTTCGCGGACTCTGCATTGGATTTCATCGTTTTTCTTGGTGTCTCTG  
GGTCTGCAAGAAAAACAAAAGTGCCTGTCTACGTTATGTAATCCTCTTCATTGGTGTAATGAACAGCCTAT  
TTTCAGTTTACGATATTTATGATGATCTA

>trans\_c\_3745 Y18529|Vigna radiata mRNA for alpha-1,3-fucosyltransferase (FucT c3)

GAAGCGCTACAAGTTCAGCTTGGCATTGAGAATTCCAATGAAGAAGATTATGTCACGGAAAAGTTTTTCAA  
TCTCTTGTGTCAGGTATGAGGTTACATACCTATTTCTCTGATTCATGCTGTTACCAACATCTGTAAGACACGTTGA  
AACGAAAGATAAGTTTTGTTCAAACGTCCATACTAACTGTAGTTGTCCGTTTTGCCGTTTTTGTGTTGGCTT  
GCTCTGCACCTCTAAAGCTAGTTACCATCTGTTTCTTACTCTTCACTTCAGTACATATTTCTACCATAACATA  
ATACTTCTAGAAGATAACTTTGAGGAATTCAGTAATGGATTGGGTTGCAAAGTTGGATATCTTGGAAAGTTA  
AAGAACCCTCATAGTTTTCATGTTACATTGACTGTTTTGTAGAGTTTTCGTTAAGAACATCAATGCAATTATTTG  
TAGGAACCATTCCGGTGGTGGTGGTGTCTCAAACATCAAGGAGTTTGCTCCTTCTCCTGATTCATTTTTGCAT  
ATCAAGGAGTTTTCTGATGTTGAGTCGATTGCCAAGTCCATGAAATACCTTGCTGAAAATCCCAAAATATACAA  
TCAATCTCTAAGATGGAAGTATGATGGTCCATCCGAGTCTTTCAGGCCCTTGTCGATATGGCAGCAGTGCAC  
TCATCTGCCGCCTTTGCATCCATATGGCAACCGTCATCCACGAGAAAGAAGAAAACAGTCCCAGGTTCAAGA  
AACGACCGTGCAAGTGTCTCGAGGCTCTGAAACCATGTATCATTTATACATAAGGGAGAGGGGGAGGTTTG  
AAATGCAATCCATATTTTTGAGGTCAGGAAATT

>trans\_c\_3746 FN820438|Solanum lycopersicum mRNA for CSN5 protein, cultivar Money maker

TTTTCTCAGTACTGTGGATCGATCGGGGGAATTCCACTCGCTTCTCTTTCAGAACTGCCATTGAAGAAACCC  
CAATTTTCATCAACAGAAATCAGTAAAAAGGTATCGAAAAATTTGAAATCAGACGAGAATTGGTAGCATTTTTTC  
TTCATATTCTTCTCGTTCGTCTTCCATTTCAAGACGAATGGAGCCGTTTCCATCATCCTCACAAATAGCTCAGAA  
AACCTGGGAGCTTGAGAACAAATATCATCTCCGTCGATACTCCTCCGACCACTTCCAAAGCTTCAGATTCTGCTT  
CCGATGCGATATTCTATTACGATGAGGCTGCACAAGCAAAGTTTCAGCAGGAAAAGCCGTGGCAGAATGATC  
CTCATTACTTCAAGCGTGTGAAGATCTCTGCCCTCGCGCTTCTTAAATGGTGGTTCATGCACGCTCCGGTGGA  
ACTATAGAGGTCATGGGACTTATGCAGGGGAAGACCGATGGAGACGCTATTATCGTCATGGATGCCTTTGCTT  
TGCCTGTTGAAGGTACCGAGACTAGGGTTAATGCTCAGGCTGATGCGTATGAGTATATGGTTGATTATTTCCCA  
GACGAACAAGCAGGCGGGGAGGTTGGAGAACGTTGTAGGATGGTACCATTCTCATCCAGGTTACGGATGCT  
GGCTTTCCGGTATTGATGTTTCCACACAGATGTTAAACCAACAATTTTCAGGAGCCATTTTTGGCTGTTGTGATA



GATCCTACAAGAACTGTTTCTGCTGGAAAGGTTGAGATTGGGGCTTTCAGGACCTACCCGGAAGGATATAAG  
CCACCAGATGAGCCTGGTTCTGAGTATCAAACCATCCCACT

>trans\_c\_3747 XM\_002872689|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata inositol monophosphatase family  
protein, mRNA

AAGACTTGGGATCATGCAATTGGCATGATTTGTGTGCATGAAGCCGGTGGGAAGGTGACTGACTGGAAAGGC  
AATGACATTGATCTTGCTGCTGATCAAGCTGGCCGTAGGATTTTATCTCCCTCAGGCGGCGTTCTTGTCAGTAA  
TGGTCACCTACACGATCTTATAATTGAGATGACTGCATCCACTTCATCAATTGTTTGATGCTGAGACTACCTATC  
AGTCTATCATACCTAAATTTGATCCGCATTTGGAGATCAACAGTGGAAAAAAGGACCTGGGGGAAGTTAATTA  
CGGTAAAGTACTAAGCTTATCTTCCATAATGTGAATGGTTGTCCAATTAACGACTATTTTTATAATTTCAATCC  
CTTAAGTTGATTATTAGGCTAAACCACAACCTTGGATTTTTATTGCGATTTTGGTAGTACATTATTGCCACGCT  
GTGCTCAAAATGCCCTAGGTTACCATTTAGCCAAAATGTCAATATGGCTATAAACATAGGCTCCAATCTAGTT  
ATAAAATTACCACGGGAAAGTTAGTCTTTTTGGGTTGTACGCCAATCCAATTTCAAATCATCCTGTCCTGTGA  
AATCTGGCCACCTGGGCTGGTTTATCCAATGAAGACAATTCTCGTACCCACCTTGACAAACTGAAGATAT  
TTGGAAATTCCTCTATCATGGGAGTTCACGGAACAACTTGTTATTTGCCTTTGTCCCCTCTCCTCCACATG  
GATCAATAAAATGATAGTTCTCAAGTCAGTGTGTTCCAACTTCCGATTANGTGCGCAAATAGATCTGCATCC  
TTCTAGAAAAAAGTAACCTAAAAAATTGGC

>trans\_c\_3748 XM\_002882884|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyltransferase family 14  
protein, mRNA

GGTGGAAAGAGGACAAGCGAGCGATGCCATTGATTGTAGATCCTGGTCTATATTTGATGACCAAATCAGATA  
TTTTCAACGTCAATCCATCACGAGCTTTGCCAACAGCATTTAAATTGTTTACTGGTTCAGCGTGGATGGTTCTGT  
CTCGTGAGTTTGTTGAATATTTCAATTTGGGGTTGGGATAATCTTCTAGGACCCTTCTCATGTACTACAGTAAT  
TTCGTCTCCTCTCCCGAAGGTTATTTTCACTGTTATATGCAACGTGCCCCGAGTTTGCTACTACAGCTGTGAAC  
CACGACTTACACTACATCTCTTGGGACAATCCCCCAAACAGCATCCACATACGCTTTCTCTTAACGACACAGG  
CAGAATGATCGCGAGCAATGCTGCCTTTGCTCGTAAGTTCAAACAAGATGACCCCGTGTAGATCTGATCGAC  
AGGGATTTGCTTCATCGAAAAAAGGGGACTTCACTCCTGGTGGTGGTGTGCAGGCCACCCCAAGTGTTC  
CAGTCGGTAACCCGATGAAAATCAAACCAGGCGAAGGAGCTCAACGGCTTACCGTCTTATAACTAGACTAAT  
TTTGGCAGCTAGATCCGGGGTAAACCAGTGTAATGAATTTGTACAAGTTTGTGAGTAGAACTCAAACGA  
ACAATTCGAGAAGGCGGAAGCGTAGGAGGAGAAAGCAAAATCCCGGGTTCATCCCATCAACTCATACAACAG  
TGCTTTGTTGAAATGCACAGCAACATTATACGAAACATTGCTACAACAGCATGATAAACTAAAGAAGGTTAGT  
TCCAATATTAGCTTAAATGCATCTTCCACAGGTTGGG

>trans\_c\_3749 AF239177|Prunus persica major latex-like protein gene, complete cds

TTGGCATTGCCTTTTATCTCCCTAATCTTTCCTAAATATCACTTTATACTCCAAATTAATTAACCCACAAATTG  
TCCCTGATGGGTAGATATGGAAAGCTGGAAATCGATGTCCCAATTAGAGCTCCCGCTTCAAAGTTTCATGAAA  
TGTTTCACAAGAAACCTCATCACATCTCCAATGCCTCCAGTGACAAAATACACGGCGTCGACCTACATGAGGG  
CGAATGGGGCCAAGTTGGCTCCATCATTTGCTGGAAATATTTTACGAGGGTAAAGCTAGAATAGCAAAGGA  
GATCATTGAACACGTTGACGAAGAAAACAACCTCAATCACTTTCAAAGTAATTGAAGGAGACCTTACTGAACAC  
TACAAGGATTTTAAGCTTACAATCCAATGTATTCCAAAGGGTAAAGGAAGTGTGGTTCATTGGATCTTAGAAT  
ATGAGAAGTTGCACGACAAGATTCCAGATTCACATACTTTGCTGCAGTTTTGTGTTGAAGTCTCTAAAGACATC  
GATAACAACCTTTGTGCGTATTGATGAACCCTAGCTAGTCATGTTGCTGTGGCATGACTCAAGATTTTAGTACT  
CATCATTTCTCAGGTGTGTCGTTGTTGTTATAGATAAATAATTTGGCTTTTTACTATGCTAAAATTGCCAATTC  
TGATCTAGCTATATGTATGTTTTAATACTAATCTAAAGTCATGTGTATGTGTGATGATATGTTCTATATGTTGTA

CTAAATGGCAGAAGTAATATATTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3750 NM\_001060094|Oryza sativa Japonica Group Os04g0562500 (Os04g0562500)  
mRNA, complete cds

ACTTGAATCATGAATGGGGAGGCCCAACAGCTACATAATCTTTCAACGGACCACCCTCAACAGACTATCGGAG  
CCCAGATATCTTCGCTTCACCGTTCATTCTTTTGCCGCCGGCCGATAAGATGGATTACGTCCTCCCAAACAACC  
GTATTCGTAATCTGAAAGATGGCTCTCAGCACCGTGACCTTCGGTCGAAGATTTTCCAATTTCTCACAGGCGTT  
GGCAAGTTTGCCGTGGACTCTACCATCTTCAGCTCTCTCAAGGCCGTCTCCGGTAAGAATCAGGTGCATAAGA  
TTAGGCAGGGAGGGTTAAAGGATACGCCCCATTATCATCTTTGAATGAAAGGAAACCAGAAGAGGTTAAAC  
TAGTGATGGATAAGATGCAGGCAGAGATGGAGGAAAAAGAGGGAAACAAGAATAAAATGAAGCAACGCCA  
ACACCATTGTACATCTGCAGAGATTGTTGATGATGACTCTGAACCACTGAAGAAGAAGCCAGGGGAAAGTGA  
CAAAGGATCAGCCAACGTAATTCAAACAAGAAAAGGATCTTCATCCGTTCCCGACTATAGACACAATCCAGT  
TCATTATTATTGTATTGTAGCATAATATAGCAAGAATAATGGATTCTTTCTTGACAAGGTATGTAAGTTGTACT  
TTGTAGATAGAGACTTTTATTACATTATCATAAGTTCTAAAGCAAAGCTATGCATCCTATATTTTCATGGATGGA  
ATTCCTTAGCTTAGCAAGTTATAAACAAATTCCTCTCTGTTGGAAACAAAATAGAAGTTGATTAGGTACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3751 AY104587|Zea mays PCO104634 mRNA sequence

TCCCAGCATCAAATTTAGAGCTGAAAGCACAGTTGAAGAAGACATTGGAACCCCAAAACCACATAATCCATGG  
AAGCGCTGAGGAAGAAGCTGTTGACGTGCTTGATTATTCTCACAGTTTTCGTTTCAGGTTTCGAGAGGTTGGAC  
CGGGGCAATCCATGGCCGAGTTATCTGCGATGTCTGCGGCGATTCTCCATTGGCCCAAGACCATGTTCTA  
GAAGGTGCTGAAGTAGCTGTACTTTGCATTACAAGATCGGGAGAAGTTCTAAATTACCAAGCATTACCAACT  
CTAAGGGTAGATACACTGTTGCAGAGACCATGTGCGAAAGCGACCGTTGGGATGCATGCCTCGCTCGGCCAA  
TCAGCAGTTTCCATGAACACTGCACCCATCTTGGCGCCAATAGCTCGGGTGTGAAGTTCAGTTACAATCATCCA  
TCTGGTCACTCTCATACTGTCAGGCCTTTTGTCTATCGACCGAGCAGCATGCCGACATACTGCATCTGACACAT  
TCTGAATAAGGGCAATAAGATTGTGAGGTTGGAAGTCAACAATTGAGTTTTCTTATGGAAAAAAAATGTTTT  
CTGCTATATGCTGGTTTTAATGTAAACCTCAGTCTGTTTATATCAACTTTTTGTTATGATGTACATCAATTAGAA  
CCAATGTTGTGATAGATTTTCAAAAGTATCATCTGGATGATATTGACTCTCATATCCATAATACAGTTTCCGTTT  
TGTCCTACATTTTTGTAAATTTCTGTTTTGTCCTTTGCTAATGCCCAAGGGATCCAACACTACGTTAATAGGTTGC  
TACTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3752 XM\_002893647|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT-IE, mRNA

AGAAGCATCGATGGAATCCTGTTTTTGCTTCAACAAACAAATCGGTGGTAGACCTCTCATTACCAGCCAAGAA  
GGCTGCACTTTTGAACAGAAGGTTGCAGAAGTGCAGCTAATTCATGATTAATATTGCACTGGATAGATGGGGT  
CGTGCTAATAAACAAAGGTTCCATAGATTCCATTGGATATTCGAGACATGTGCCAATAAGGTTGAAAGGCTATT  
AGATGGCCTAAAATGGGATGACAAAGGTCTGGTAGTAGCTACAGCTCAAAATGTTGACACAGGAACTATATT  
AATGCAAGGATTGCAAACAAGGAGGCTGTTTTGAAAACCTGCATCCGAACGCATGGCTACGTTCTACAGCCGA  
TCACGATCTCAACTGTGGACAAAGGGAGAGACCTCCAATAACTTCATAAATATTCATGACATATCCCTAGACTG  
TGATCGTGATTCTATAATCTATCTTGGGAAGCCTGTTGGGCCTGCTTGTCATACTGGAAGTCCACATGCTTTT  
ATACATCACTAGATGATTTGATAGATGATCCACAGGTTGAAAGCATAAGTTGGCGTTGTCCACTTTGTACTC  
ATTAGAGAATATAATCTCCCAACGCAAAGCAGAATTAGCATCTTTCCAAACCGGCAAGCCCTCTTGACAAAA  
CGTCCATTGCTTGACAATAAATTGCTCTGCTCTAAAATTCGGGAAGAAGCAGATGAATTGTGTGAACAATGG

AAGAGAACGAGGGTAGGTCTCGTACGGCCTCGGAAGCAGCAGATGTGGTGTACCATATCCTGGTTTCTCTAG  
CAGTTCAAGAGGTAAAGTTTGAGGAGGTTCTTGAACATTTGC

>trans\_c\_3753 NM\_128524|Arabidopsis thaliana ATPH1 (ARABIDOPSIS THALIANA PLECKSTRIN  
HOMOLOGUE 1); phosphoinositide binding (ATPH1) mRNA, complete cds

ACAAGATCCCATTTCGCAACCACATTCCGGCCTTGAGGCTTCAAAAAATCGAAGGAAAACACTCTCTGTATCTCT  
CCCCTCTACCCACCGATTCCGTCGCGGCCGATGAGCTCCGGCAGGATGGAGAGCCTATGGCGAGCGGCGACC  
GGCCAAGATCCGAGTCCGGAGGATTACAAAGGCGTCGAATTCTGGACCAGCCCCGAGCGGGCCGGCTGGCT  
CAACAAGCAAGGCGAATACCTAAGAACCTGGCGTCGCCGTTGGTTCTGAAACGAGGTAAACTCTTCTGG  
TTTAAGGACTCCATCGTTACTCGCGCTTCAATTCCACGCGGTGTTATCCCTGTTAATACCTGCCTCACCGTCAAA  
GGAGCCGAGGATATCCTCCATAAGCCTTGCGCCTTCGAGCTCTCTACCACCGGTCAAGACACTATGTACTTCAT  
CGCTGAGTCGGAGCGCGAAAAGGAGGAGTGGACCAATTCGATTGGGCGCTCGATAGTTCAGAATTCGCAATC  
GGTTACCGAATCCGAAGTTGTTGATTACGATAACAGGCGATGATTCCGATGTTGAAGATCTTTTCTTCGTCGTC  
TTTTCACTTTCTCTATGTACATAAATGAGGCGAGATTTAGTCTTGATGGTTGCGAGATGGCTACGTTTCGTC  
GAATTGGTACTATCGATCTTTGATTCTCTTTCTGGTTGTTCAAATTATGGCGGTGATGTGAATCGAACTGAAT  
CTCCCTACTCTCGTTATCTCTTACTTCTAAATCATCTGTACGCATATAAACATCTATCTTACCCCGATTTTCTCT  
GTATTTGAATCTCAATGTGGGTTAGTAAATTCGT

>trans\_c\_3754 AF049930|Petunia x hybrida PGPD14 (PGPD14) mRNA, complete cds

ATTTTCTATGTACTGAAAATCTGCTCTTCCCCCTCCTCCTCCGGCGAGATTCCTCTCTGAAGTCGAAGCGCA  
TATGAGGTTTAAGCAATACTTCAGAAAAGGAATTGAAGAATGATACCTTAAGGAATTTTAATTCGATTACCGTT  
TGAAATTTTCTCTGTTGGAACTTTGTTCTTTTGTGTTCTTACAGGGGAGAATTTTCTGATGATGATGGAG  
TGCGAAATGGAGGCTTGATTTCCCAAATGGCGACATGTCATCGATCGATCTCGGATATGGCAGCTTCGGGT  
GTTCTCATTATAGAAGGAGGTGTAAGATTAGAGCTCCTTGTTGCAATGAAATATTTGATTGTAGACATTGTCAC  
AATGAAGCTAAGAATTCGTTAGGTGTGGATCCTCTCTTACGCCACGACATTCCTCGCCACGATATGGAAAAAG  
TTATCTGTTCTTGTGTGGCACAGAACAAGATGTGCGACAATATTGTATTCAATGTGAAGTTTGTATGGGGAA  
GTACTTTTGCGCAAAGTGCAAGTTCTTCGATGGCGATGTTTCAAAGAAGCAGTACCATTGTAATGAATGTGGT  
ATTTGCAGAGTTGGAGGTGAGGACAACTTTTCCACTGCAAAAAGTGTGGTTGTTGCTATTCAAACTGATGG  
AGAACTCCCACAATTGTGTGGAAGGCAATGCACCACAACGTCTCTGTTTGCTTTGAGTTTCTTTTGTATACA  
ATGAGCGACATTTCCGTTTTGCCATGTGGACACACTATTCATTTAGAATGTGTGAAGGAGATGGAGCAACGTT  
TACAATACACATGCCCTGTTTGCTCAAATCCTATT

>trans\_c\_3755 XM\_002877177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPase subunit 9, mRNA

AAAGGTTTCTAATGGGTGCCGGAGCTGCTACAATTGCTTTAGCGGGAGCTGCTGTCCGTATTGGAAACGTCTT  
CAGTTCTTTGATCCATTCCGTGGCGCGAAATCCATCATTGGCTAAACAATTATTTGGTTATGCAATTTTGGGCTT  
TGCTCTAACCGAAGCTATTGCATTGTTTGCTCTAATGATGGCCTTTTTGATCTTATTCGATTCTGATCGAAAAG  
GTTTCAGTCTCACATCTTGAACATCAGAAAGCCGTCCCTCTTCTATGGTCGAGCTACTCCGTCCCTCATCTGG  
AGCTTTTTCTTTCTCATATTCACCTGTGTCCTTATCAATGAGCTTCGATTATTCTTTGACTTTATTCATTGATTC  
AGTCGAGACCTCTGGAACCTGTCGGAGTCATTTCAATTGTCCTTATCAATTTCAACTCCTACTCCGCCTCTATCT  
GAATTGGTTCTACGTAGCTTATAATCTCCGAAGGACAGGTGAATATGGATTTCAGACTCCTTCTACGCGGTCCG  
AAGGCTCAAAGAATTTGAGAAAAAGAAAGTCACTAGAATGAACTAAAGAGGACGCTCGACTGAAAGGAGT  
CCAAGATTCAAGCTTCATCAATGAACAAGGGCTCGACTCTTAGGAGAGAAGGAGGCTCAATGAAATATGAGT  
TCGTTTCGTCATTCCACTAGAAAAAAGGATTCCACATTCAAGAGGACCGGACAATAGCCTGAGTCGAGTAATG

GGAAGCGGGCTAGTCCCCGAAAATGCTCGTTCCTCTGACACCAAATCCACAATGAACCTTGTGACTCTAACT  
CTTCTTCAGGGGGAGCGTCTCTATATACTC

>trans\_c\_3756 NM\_106220|Arabidopsis thaliana chaperone protein dnaJ-related (AT1G75690)  
mRNA, complete cds

AGCTTTGAAACAAACCACAGCTTCAAGTGTTTTCTTTAGGAATTGGGACTGAGACTGACTTTCTTTTTCTTTCTG  
ATTCGGAGCTCTCACAAGCAAAGGAATCGAGTCCAAGGAATCCGAAATGACAGTAGCACCTTCGCTTTCCCG  
CCTCCATTCTCCATTTCTGTATTGTCCTCTCAAGCCAACTTCATCTACCTCTTTATCAGTCACATTCTCTGAAAT  
CAACGATCGCCACCATCATATCCACGCATCAGAGCAATAGATCTTGACCAAAACACGGTGGTGGCACTTTAG  
TTGGGCTGGTGAGTGTTGCAGTTGGAATAGGTATTCCCGTCTTCTACGAAACCCAAATTGATAATGCTGCAAA  
GCGTGAAAATACTCAGCCCTGCTTCCCTGTAGTGGTTCAGGAGCACAGAGATGCAGATTTTGCATGGGAACT  
GGCAATGTGACTGTAGAACTTGGTGGAGATGAAAAAGAAGTCTCCCGGTGTATTAAGTGTGACGGTGTGGC  
ACATTGACATGTACTACATGTCAGGGCTCTGGAATTCAACCTCGATACCTAGACCGCAGAGAATTTAAAGATG  
ATGATTGAAGCCCTGCAGAACCAACCCGGCAACATCACCGATTCCGATTTTGTGTTTAATTTGATGGCTTGAA  
ATTGGCTTGAACCTTGTTAGTTCATTGAATCGAAGAGCTTGGTAACTTCTACCTAGCAATTCTTTTTGGTAACT  
TGCATTCTTCTAATGTATATCTGTGGTTAATAACAACAACATTGTAAAAGGAGAGAAGAATTAAGTGTACT  
ATCCCGAGATTATGAATTCATCTCTATTCACTGT

>trans\_c\_3757 EU257693|Zea mays filamentation temperature-sensitive H 2B (FtsH2B) gene,  
complete cds

CATGCTAATAACAAGAAGTTTGACAATGATGTTTCTCTCGATGTTATAGCCATGAGAACACCTGGTTTCAGCGG  
GGCTGATCTTGCAAACCTGTTGAATGAGGCTGCCATATTGGCTGGACGGCGTGGTAAGACTGCTATTTCACT  
AAAGAGATCGACGATTCAATTGATCGAATTGTAGCTGGCATGGAAGGAACAGTAATGACTGATGGGAAGAG  
CAAAAGCCTTGTGGCATATCATGAAGTTGGGGCACGCCATTTGTGGTACTTTAACTCCTGGACATGACCCTGTT  
CAAAAGGTGACCTTAGTTCACGTGGTCAGGCTCGTGGTCTTACCTGGTTCATTCTTCCGATGATCCAACCTT  
GATCTCTAAGCAGCAACTCTTTGCTAGAATCGTTGGTGGACTAGGCGGCAGGGCAGCCGAGGAAGTGATCTT  
TGGGGAACCTGAGGTGACAACAGGTGCAGCAGGTGACCTTCAACAGATCACTGGGTAGCCAAACAGATGGT  
TGTAACATTTGGGATGTCAGAAATAGGTCCATGGTCTCTCATGGACTCTGCTCAGAGTGCTGATGTTATCATGC  
GAATGATGGCTAGGAACTCCATGTCCGAAAAACTTGCCGAGGACATTGATGCAGCGATCAAGAGAATATCCG  
ATGAAGCCTATGAAATTGCATTGGCTCACATTAGGAACAACCGTGAGGCCATGGATAAGATTGTTGAGGTCCT  
ACTCGAGAAGGAGACAATAACAGGTGACGAATTCCGGGCTATTCTTTCCGAATTTGTTGAAATCCCAGTTGAA  
AACAGGGTTGCTCCAGCAACAGCTGCTACACCGCATTAACAAA

>trans\_c\_3758 Novel Gene

TCCTTCATCGGATTCATCCCTAACCATCGCCATTCTTCACTCTCCACACCCTCACTAACTCTCTTCTAGCTATGGA  
GGTCACTTCTTTCTGTAGCAGCAGCACCAGAGCAGCTTCCTTCATCTACTCATATCCTTCCACAACCACTTCAAG  
AAGAAAACGCCCTCTTCATCTTCATTCCATGGCTGCCGAGAAACCTCCCCCTCCGCCTCTAAAACCGTCGGCT  
CCAAGAAGATCAACACAACGGTGTTCCCTCTCGGCGAGAAAGGCCCGAGGAGTAGCATCTCGCTATCGACTTC  
ACCGCCGATTAAGCTACTGACGAGGGTGGAGCAATTGAAGTTACTAAGCAAGGCGGAGAAGGCTGGGTTGC  
TATCTGCGGCGGAGAAGGCCGGGTTGTCTTTGTCTTCGATTGAGAAATTAGGGCTTCTCTCGAAGGCTGAGG  
AATTGGGGGTTTTATCGGCAGCGACAGATCCAGGAACTCCCGGTGCGTTGCTGAGTTTAAGCTTAGGGCTGTT  
GTTATTAGGGCCGTCGTGTGTGTATTTGGTGCCGGAAGATAGTGTGTTGGGAAATCGTGTTGCAGGTGGCGGT  
GGCTCTGGTCTCATCGTCGCGGTTCCGCGGCTTTTGCCGCGTCGAATTTGGTCTCAAATTTGCAAAGATCGA  
ATTGAAATTCAGTGTTGGAATTTGTTAATGGCAGCCATGGTAGTTGTAGTTATCACTATCAGCTTTCCTTCTCCT

TCCATGTCGTCGTTTTGTATGCTGTAACCTATTGAATTTCAACAATTTCCCGGCGAGTTAAAATGGCGAAATGTG  
AACGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3759 DQ250018|*Petunia integrifolia* subsp. *inflata* non-S-locus F-box protein 23 (FBP23)  
mRNA, partial cds

AAAATCGAACATACTCCTAGCTCCCTCTGTCTCTCTCTCTCTCGTCGGACTTTTGGGAGTGTGGTCTATCTCTCT  
CTCTTTCTTGTCTGATCTCCATCTAATCGGAGATTTTATTGATTCCGTCAGATTTTGAGGGGCGAAATTTTCGA  
TCTTGTACCATCTGTTCCCTCCACATCATCAGATTCGGAGTCAAAACCACTGTTCTTCATCTTCTCGGGCGTTTA  
ATCATCTAGGGATCAAACCTTCACGCTCTTGTTATACCTCTGTTAAAAAATGACATGGGAAGAAGTTTTGAAG  
GAAATTTTCTTTGCTGGAAGGTGTGGACCTTGCTTCCTGCATGGCAGTGTGGCAAGCAGTGGAAAGACATC  
GCTCGAGATGATTACTTCTGGAATGCTTGGGTGCCAAGAAGTGGCCTTCAACTTGCAAACGTCCCATCCTC  
CGACAGATACTACTATAAACTTTATAGAACTTTTACAAACGCCCAATAATCGACGGCTTCTCCCTCCTCGAC  
TTTCTTTGATGATTTAGAGTTTTTTATCGACATTTGGAGTGAAGACAGATTAATCTTCTCAGAAGCTGTTTCAG  
GTCGAATCCTCCAAATGGTATGAAGAGCCACCACCTGGTACTAGTAACGTGCTTAGTTATCATCTCGAAGTC  
CCTGAGTTCAAGATGACACTTCCTGTTGAGTCAAGGTTCTCAATTCCAATATCCAATGCCGTAAGCGCATCTGT  
GCTTGTGGGGCGCGAGGATTCCACAAAGTTGCAAGGATAGTGAATAAATCAGTATTTGATTATATTGATCGGA  
CGTCGTATAGGGCGTTGGCTTTTGACTAC

>trans\_c\_3760 Novel Gene

TCTTAGTAACACAACACAAGACTTGGGCTGGAAATGAATAAGGGCTTTAGTGATTCAAACCCAATGACATAA  
GTTGGGATTTCATAGGGCAATAACCTTCACATATATAAATACTTTCAAGACAATAATATCATTAAAATAATTC  
ACAACAATGATTAGTATTTTTATTAGGTAATCGTTATTGTTGATATGATAGGGACAAAGTTTGTCTTTGTTATGTT  
ATATCCTAAAAATATATAAAAAAAGTATTAGGTGAAGTAACTTTCTGGGTTATGAGGTAAGAAAAGGTGA  
GCAAATCGAAGAAGGGAAGTGATAAAATTAATGAATGAAGAATAATAAAGAAAAAAAGTACACACTTCAC  
CTAATGGCCAATTTCAACAAATTTTCTTTCAAATCTCATGAAATCTCCAGAAAGGAAAAATGTAGGAGACATT  
ATGCATTACTTGAAAAATATTTACTAAATATAGTAAATTTTAAATATTTTAGTTAGTGTGTTGTAATTAATAC  
ATTGATAGATATAAAAAAATCTAGAATTTTGATATGTTTTAAATATTATAATTCATTTCCCTATATTCGAAA  
GTTTCCAAAAAAGTAACAAATCTATTTTATTTCTAACATTTTAAGAAAATTAATTATAAATATA  
TATTCTCATTTTGAATTTAAATTTATACAGTATTACCCATTAATAATGAGTTTTAAAAAAGGTGAGTAATATA  
GGCTAAAAGTAATACCATGTGTACTAATTAATAAATGAAAAGAAAAAAGAATCAGAGATACCATCTGA  
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3761 XM\_002332522|*Populus trichocarpa* AP2/ERF domain-containing transcription  
factor (ERF4), mRNA

AATTCAAAATCCTAAATTTTTTTCATTTCCAATTTCTTCAATTAATCTGTTTCTGATTTTAATGGAATTCGTCAAT  
CTCGAAGAAGCCGTTGCGTTGGAGAGTATCAAGCTTCACCTTCTCGGCGAACTCTCTCCCTTCCCAGAATTTT  
ACCTTCCGACGATGATAACCTTTGTGTTTCATCGTCTGACCGTCGTTCCGGTGAGTTCTGGTTCTTCATCCACATC  
GAATAATTGCGTTCTTAACATCTCTGATTACTTTAATTCCGATGAAATCTTCAATTCTCCCTGATTTGATGCC  
AACCGAGTCGTCGTCTATGTCGTCAAACGACGATTTCTTTGGATTTGAGATGAAACCTAACGTAATCGATCTAA  
CAACACCGAAATCAACTGAGTTAGTTGAGTTTGGAGACGAAACCTAGAGTTTTTGAGGATTTTAATTCGAGGAC  
TCAGTATAGTAATAGTTTCGATTGAAGTTGAATCGAAGATTAGTCAGGTAGCAAATTCGAATCGGAAACGAAC  
GAATTTGAAGATCTCCCTCCGAATAAAACAACGCAGTGATCAATTTTGATTCGGCGGTGGAGAAGAAGAAT  
CCGGTTGTGGTACAACAGAGGAGTAGAGATGTTGAAGCGGAGAGGAAAGTTCATTACAGAGGTGTTTCGACA  
AAGGCCTTGGGGAAAATTTGCCGCTGAGATTAGGGATCCGAATCGCCGTGGTTCTAGGGTTTGGCTTGAAC

TTTTGAGACGGCGATTGAAGCGGCGAGAGCGTATGATCGTGCAGCTTTTAAGCTTCGAGGATCTAAAGCGAT  
TTTGAACTTTCCGTTGGAAGCTTCGAATTCTTACTC

>trans\_c\_3762 DQ118106|Glycine max plastid division regulator MinE mRNA, complete cds;  
nuclear gene for plastid product

AGTGTGCCCTCCAACAAAACACAACACAACCCACCAACGACGACACCCCCAAGCTGAAGTCGAAACCGATACT  
CAAAATGGCGGTTTCGGGAGATCTCAGAGTCTCCGCAACACTCTGCTCTCACCATTCTCACCCTCTCCGCCCTTC  
TTTTCTTCTTCAAAGGTTGAATTCTCTGGATTTTCATGTGGAGGGTCTAGCAGTCATGAAGTTGCACTTAAAT  
GGCGAAACACAGCAATTGATAGGCGCAATAGGCGTGGCATTTCACAGCTAACTACTGGGAGCTCAGAAAGTT  
TTGAACTGTCATCAAAAACATCAAGTCAAGAAGCTGAAACCTTCCTTCTGAATGCCATAAACATGAACTTCTTT  
GAGCGTTTAACTTGGCTTGGAGAATTTTATTTCCAAGTCCAGCATCAAAGAGAACTCCAATGCTTTGATTGC  
CAAGCAGCGACTAAAGATGATCCTCTTTGCTGACCGATGTGCAGTTAGCGATGAGGCTAAACGGAAGATTGTT  
AGCAATATTGTACGAGCTCTATCAGATTTTGTAGAAATTGAATCGAAAGATAAAGTTCAGTTGAGCATGTCCA  
CGGATTCTGATCTAGGAACCATTTACTCTGTACGGTACCTGTGAGGAGAGTGAAAGCAGAATATCAAGAAG  
CAGATGAGAGTGGAACGATAACAAACATAGAGTACAAAGATAATGGAGAGACGTCTGGGTCTGTTGATGTG  
AGGTTTGATTTCTTCATTCCAGATTGAATGCATCTATGCTTTTGTATGAGTGAAATTGATAAATCATTTGTGTT  
TGAACGGGGGTAGTGATCAAAGCTTCTTCTTCTGTAA

>trans\_c\_3763 NM\_106592|Arabidopsis thaliana ALDH5F1; 3-chloroallyl aldehyde dehydrogenase/  
NAD or NADH binding / succinate-semialdehyde dehydrogenase (ALDH5F1) mRNA, complete cds

AAGATGAGTATCGATCGTTTTTTTAATAGACCGAGGATGAGTCGTTAATTTGATTTCAATATTGCTTCACCCATT  
TTTTAATCCAAATAGCAAGAATCATCATCAGAGATCGACAATGATCATGACGGTCACTGCTAGAGTAATCGC  
AGCAGCTCGATCATTGGTCCATCGAGCCAGTTCCTCTTCTACGTCCATCTTCTGTGTGTTGCTGCCAGAA  
ATCTCACTCCCACACCCTTCTCATTCTGTCAGATGAGCTCGGAGGCGCAGAGCATCACTACTCGTCTTCACAGTT  
CTGGATTATTAAGAAGCCAAGGTCTCATTGGAGGGAAGTGGATTGATGCTTATGATGGGAAGACCATTGAGG  
TTCAAATCCAGCTAATGGTGAAGTTATAACCAATGTTCCGCTCATGGGCAAAAGGGAGACCGATGATGCTAT  
TTCTTCAGCTTATGACGCTTTTAAGTCTTGGAGCAAGCTCACTGCAGCTGATCGGAGTAATCGCTTACGCAAT  
GGTATGAGCTCCTAATGGCCCACAAAGAAGAGATTGGACAACCTAGAGCAAGGAAAACCCTTAA  
AGGAAGCTTTGGGTGAGACTAACTATGGAGCCAGCTTTATTGAGTTCTTTTCTGAAGAAGCAAAGCGAGTATA  
TGGTGACATAATCTCACCAACTATAGCCGATCGTCGACTTTTGGTCTTGAAGCAGCCAGGTGGAAGTTGGTGG  
GCGTCATTACCCCTTGGAACCTTCCGCTGGCTATGATTACACGGAAGGTTGGACCTGCTCTTGCAAGTGGTTGT  
ACGGTGGTCATAAAACCCTCTGAGCTTACCCCTTG

>trans\_c\_3764 NM\_001036727|Arabidopsis thaliana NDH-M (subunit NDH-M of  
NAD(P)H:plastoquinone dehydrogenase complex) (NDH-M) mRNA, complete cds

GAGAAATCAAAACCAACCATTTTCTAAAAGATAGACACCAAAAGAATTCCTCCATGGCAACAGCAGCAGCAGC  
TTCATCTTACATAATGTTTTCTATGGTGGGTTGGAAAAATGGCAAACAAAACACAAAACACACTCAGATTTT  
CCATCTCAGCTCAGCTCAATGAAGCTGCAGAGCAACTAAAAGTTGGAGACCAGGAAGAAGATCAAGAACAGG  
CAACGCCGAAACCATCGCCGCTACGACCCGTCGAAGTACAACAGAATGTGAAGAGCAAAACATGGGAAGA  
AAGTATGGAGGACAATGGCTTAGCAGTGCGACAAGACATGTAAGAATATATGAAGCTTACATTGACCCGGTT  
ACTTGTGAGTTTGATCAAACTCAAATGGATAAATTTACTCTCATTTTGGATCCAAGTAATGAGTTCCTTTGGAA  
TCCTGAAACTTGCAATAAAGTCTATGCTTACTTCCAAGAGCTTGTGGATCATTATGAGGGAGCTCCATTGACAG  
AATATACACTTAGGCTAATAGGTTCAAACATAAAACACTACATAAGAAAGATGCTTTATGATGGAGAAATCAA  
GTACAATATGAATGCAAGGGTCTCAACTTCAGCATGGGAAAGCCAAGAATTATGTTCAATGCCAACGATCTA

CCTCAAGATGATCTAAAATCACAATGAATATTTTACAAATGAAATTAATGTTGTCTTCCAAATAGAATCATAA  
ATATTATTCACTTTCGTCTCATTTTGTATGCTGCATCAATGCATAAACTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAATAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3765 AJ316614|Quercus suber mRNA for PDI-like protein (pdqs gene)

GATAACGCAACAATATAAACCTAAGGAATAATTTCTTTATTATGGCTTTCGATGCTGTTTCATGATATCAGTTCCC  
TCCTTTCCTCTGAGAGGAGGGATTTTCTCATTCGTAACAATGGCGATCAGGTAAAGATCAGTTCTTTAATTGGA  
AAGAGAGTTGGATTATATTTCTCAGCAGGATGGTGCCCTCCATGTCGACTTTTCACACCAAAATTATCAGAATT  
TTATAAGGAATTGTTAGCTAATAATTCTAAAAATAATGACTTTGAAATTATCTTCATTTCTTCTGATAGAGATGC  
ACTCTCATTCAAAGCTTACTTCTCAAAAATGCCATGGTTGTCCATTCCATTTGATGATTTAGAGACCCAAAAGA  
AGTTGAAAATATTGCTTCAACTTAGATCAATTCCTTATCTTGTTGTTATTGATGGCAATGGCAAAGTTTCAAGTG  
ATGATGGTGTGAATTTAGTGAAGGAATTTGGAGTTGATGCTTATCCTTTTACTGCTGATCGAAAGAAGCAACT  
TCTGGCTCAAAAAGAAGAGGCTAAGAAAAACACTCAAACCATTACTCCGTTTTGGCTTCTGCTTCTCGCAATT  
ATTTGGTTTCTAATGATGGAAAACAGATTCCTGTCTCTAAGCTGGAAGGAAAATTGATAGGGTTGTATTTCTCA  
CTGCCTGGCCATGAACATTGTGAAGATTTTACACCAAAATTAAGTGAAGTTTACAACAAATTGAAGAAGAAGG  
ACGAGAATTTTGAAGATTGTGTTCTCTTTAGAAGAAGAAGATGAAGATTTATTCGATGAAGCATTCTGAATC  
CATGCCATGGTTGGCATTGCCTTTTAAGGA

>trans\_c\_3766 Novel Gene

CTACACTACCACCTCAACGAGAGATTGGTGATAGACATAGATTTTCAGATCGGAGTTTGAGATCGCTCGTTCCA  
CTGGAATGTACAAGACGATTCTTCAATTAATCCCGAATATCTTCGTCGGAAAAACGGATCGTTTAGGTCAAATC  
GTATCGATCGTATCAGAGGCTGCGAGACAGAGCTTGAAGAAGAAGGGGATGCATTTCCGCCATGGAGGAA  
AGCTGAATACATGAGAGCTAAATGGCTTTCGCTCACATCAGATCCAAGCCTCCAAACCCTTCGGTGAAGGAG  
ATCGAAATCACGAACATGGAGGAAAACGAGAACAACGAAGAATCGCCGACAGAGACGGACTGCGGAGAATT  
GGAATTGATATTCGGAGACGAAGAGACGATGATCACATCAGGTGAAAGTAATTCAATCGCTTCATCGCCGCCT  
CCGCAGGAAGGATTGTATGGCGGCAAGAAGGCGGCGTTGACAGTGACGCCCTGGCAACCTCCGGCGATCAA  
ACCGAAGAGTCTCGATAGAGGAGCTAAGATCGTTACGGGATTGGCATCAATTCTGAAAGAGAATCCGTAAAA  
ATTTTGGGTTTTTTTTCTTTTTAAAAATTTTCTTTGTCTTTTTCTTTTTTGTGGGAAATGAAATATCATAA  
ACAAAAGTAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAGAGGAGATAATTAAGGGGGGGTAAACCGTAAAAGT  
AAATAATAGTAAATGTGAGAAAATGTATGTGCTTTGTTAATTGAGGAGGGGGGAAAAAGAAAGGAAAAAT  
CCTTCGGTTTTTTGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3767 HM122671|Malus x domestica NAC domain class transcription factor (NAC8) mRNA,  
complete cds

AGTTGAAAGTATGGATGCTGGAACCTGGAATTCAGAGAATCAGTCGCCGGCCAAGAAGTCTGCAACAGCCGAA  
TGAGTTTTCTACATTTAGGGGACTGCACCTAGAAGACTACGACTGCAAAGCAAACCTTGTAGCGCCATCCTCAT  
GCTCTAGCAATGTGTATAGTGAGAGTGGTGGATCGTGGGATAATGACCAACCATCAATCTCAAGCAAGGTGA  
AAAAAGCTGCAGAAAACAAGACTACTGGTGGCAATTGTGCCAGTGCTGGTGGTGTGTGGCTGCTGCCACGG  
TTGACGTTGTGAAACAGTCCCAGATGACACCTAATGCAGAGTCGGGCGTGAGTAGTAGTAAAGCTTCCCATG  
AAGTGAGTGCGAAGTCAGTGGCTAGCTATAGCTCAAAGATCGACTTCTTAACGGGCAAAAGAAGATTAGTGA  
CGGCGCTGCCACCTTCAATCCTTTCATACGTTTCGGTAGTTAGGCTTGTAGTTGTCGCATTATCCATAATTTTA  
TTAGCATTTGGAAGTGCTGTAACCGTGAGCAGCGTGGGTACTTTGTGTCTCCCTTCTGTTAGCCTCCATAGGTT  
TTTAGTACCCTTCATGGGATTGGGGGTTACAGAAAAAGTTTTTGGAATAACAGGTTAGGATTGTAAGGTAT  
GTGTATCTATGTCGTCAGTGTCATATTTAGTTTGGCCTTGTGTATCTACGTCCTCAGACTCGGGAGTCCAAT

GTTCTTTTGTATGAAACAGCTTCACTGTTACCGTTTTACCCCCCTATTTAAGGTGTTTTGTATATATGTTTAAA  
ATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3768 NM\_112923|Arabidopsis thaliana TGD2 (TRIGALACTOSYLDIACYLGLYCEROL2); lipid  
transporter/ phospholipid binding (TGD2) mRNA, complete cds

ACGAGAACGCTCTTCTGAGTCCGGAAATGGCAGTATTCAAACAGTTCTTCTTCCCCATTTTCACCCATTTCTT  
CGCTCTAATTCCTCTTCTATTGCTGCTTGGCTGAATGTCATCTCTACTGTAGTGTAGTTACAATCTCGAGTTACA  
GTTGTTTGAATCTTCTTTTACAGTTGCAGTTGTGCAAATATGGTGGGAGATATTCGTGTGCAGGTTGTAACATG  
TTCTGTGACGTTACCCTCATCTTGGTTACCCTTCCACATAGATCTTCAAATAGGTTGTCTTATCATCTCCCATTG  
GGTCGGAATCAAAGTGAAGCAGATAAAGGCTACATCTGCTGATGCTGGACATAGTCAGCCCCCATCATCTT  
CAGAAAGAAGGAATCCACTTTCCCTTTTCTTGATGTTCTCTGTAAGTGTGAGGCAAAACATTGCGTCCTTTG  
AGTAATTTGGGTTGCGTCGAAGGAGCATATGGGAAGGTGGGGTTGGGTTGTTCTAGTGTGAGGTGCTATA  
CTCTCACACTCAGTTTGGCTTGGTTGAGATGCTTCAACTACGGTCTAAATTTAGAAAATACTTGGCTGTCTTT  
GAGTTTGCTCAGGCTAGTGGTATTTCTGTTGGAAGTCTGTGAGAATTAGAGGAGTTACTGTAGGCAACGTCA  
TTCGTGTTAACCTTCCCTGAGGTGTATTGAGACTGTTGTTGAGGTTGAAGATGATAAAATAATTATACCCCGT  
AATCTTTGGTTGAAGTAAACCAATCAGGTCTTCTTATGGAGACAATGATTGACATTACTCCCCGGGATCCCTA  
TCCAGTTCTTCTGCANGACCACTTGATC

>trans\_c\_3769 NM\_106064|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L6 (RPL6C) (AT1G74050)  
mRNA, complete cds

AAAAATTTAATAATTTTCCCTCTAGGGCTTTTGGCGAGCAGAGGAACGAAGACTCCGGTGCCAAATTCTCAG  
AGGTTTCATCAATGGCTCCGAAGACAGCAAGAGTTAGCAGAAATCCTGAACTCATTGAGGGGTTGGCAAATA  
CTCGAGGTCAAAGATGTACCACAAGCGTGGTCTTTGGGCAATCAAGGCCAAAAATGGAGGTATCTTCCCTCGC  
CATGATGCCAAGCCTAAGGCAGATTCTCCAGCTGAGAAGCCACCCAAATTTTACCCTGCCGTTGATGTCAAGA  
AACCACTTGCTAACAAGCGCAAACCCAAGCCCACTTAGGTCCAGCATTACTCCTGGAACCGTGCTGAT  
CATTCTTACTGGAAGGTTTAAGGGAAAGAGAGTTGTGTTCTTGAAGCAACTCCATCCGGGCTGCTTTTAGTG  
ACTGGGCCATTCAAGGTCAATGGTGTTCATTGAGGCGTGTGAATCAGTCATACGTGATTGCAACCTCCACCA  
AGGTGGACATTGCAGGAGTCAATGTGGAGAAATTTATGACAAATATTTCTCCAAGGAAGTTCAGAAGAAGA  
AAAAGAAGGGGAGAAGGAGAATTTTTCGAGGCAGAGAAGGAGGAAAAAAGTGAAGTCCACAGGTGAAAAA  
GGATGATCAAAGGCCGTGGACTCAGCTCTGCTAAAGTCCATTGAGGCAGTCTCAGACTTAAAGACATACTTA  
GCTGCAAGGTTTTCTCTAAAGGCAGGCATGAAGCCACATGAGCTTGTCTTCTAGATATTTCTGTTTGGTTTCT  
GATACTTCTCTTGTGGAATTTNGATCCTATAATCTTCTTGTTCA

>trans\_c\_3770 AJ225048|Lycopersicon peruvianum mRNA for Hsp20.0 protein

AAGCAACAAATTCCTACACACACAACACATTTGAATCTCTTAAAAAAAATGTGACGCGTTTGATCAGCA  
GCTTCTTCCCCACCAATCGCAAGGAACAATACTACGTTGAGGATCGATCCGGCTGCGAAAAGTGCCCTGAAGA  
TCGAAAAGAACGCTACCAGGGCGAGGATCGACGAGCGTTTGACAAATCTTTGACGATCGAAAGGAACGGTA  
CTACGTGGAAGACCGCCATTCTTACAGGCAATTTCCGGAGAAAGATGTGGTTCCAGTTGATTCTTCCGATCTT  
CCATTGCTCCAAATTCCTGCTGCCATAAACGCTCAGATTGACTGGAAGGAAACCGCTGATGCATACGTTTTT  
AAGTTAGATCTTCCCGGAGTGAAAAACATGAAATGAACTGGAGATTGAAGACAATGGAGCTCTGTGTATC  
AGCACTGAAATTAGGGCTGAGAGAGAGGAGAGAATCGATATTTGGCGTCGTGTGGAACGAAGCAGTGGAAG  
GATCTACCGGCGTATTGTGTTGCCGGAGGGTGCGGATGTAGATAAGGTGAGGGCAGAAAATGTATAACGGAG  
TATTGACCGTCACTGTGCCTAAATACCAATTTAGGAAGCCCATGGCCAGAGTTGTCCAAATTTCTGGACATTAA  
AATCTCATAAGATCATATGAAGCATATCAAAACAATAATAATAATACTAAAGGTTGAAATAAGAAAGAAACAA



AAAAAAAACAATAAAATGATTATCACTATGTTCTGCTTTTAGGGAATTAATAAAATCTTGATTATGTTTGCTCTAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3771 Novel Gene

TATCAAGAAAGGCAACCTTGTTATTTCCAACGCCGGTGATTGTCGTGCCGTTCTCAGCAGCCAAGGTGTTGCC  
GAGGCCATCACTTCCGACCACCGCCATCCCGGGAAGACGAAAGGCACAGGATCGAGTCCACGGTAAGAATT  
GAATTGGTAGATGATGATTCCATTAATTCATTAACAAATTAGCCTTTGTTCAATGTTGATGGAGTGATGATATA  
TGTGAAAATTGAATTTGGTGTACTTTTTTTGGCGTGTCTATAGGGTGGATATGTTGATTTGTGCAATGGAATT  
TGGAGAGTCCAGGGATCTCTGGCTGTAACAAGAGGAATTGGGGATGCTCACCTCAAACAATGGGTGATAGCC  
GAACCGGAGACAAGGGCAATTCGCGCTAGGCCACGACAGAGTTCTTGATCTTGGCCTCAGACGGATTATGG  
GAAACGGTAAGCGATTAAACCCGAGTGTGATCCATTAATCACAAAACCTCCTCATTGAAGACAACCTATA  
CTAAACCATATTGTTATTTCTTTGTTTCAGGTGAGCAATCAAGAAGCAGTTGATTTGCACATCCGTTGTGTGT  
AGGAATGGAGAAGGCAGAGCCATTAATGGCTTGTAAGGCTTGTTGGAGCTTTCACTTCAAGAGGTTTCAGT  
TGATGACATTAGTGTAGTACTAATTCAATTGGCTAACTTCATCTAATTTGGTATTAGTTTTAGTGTAAATTTAT  
AGTAGAGAGGATGATAATGATTTTGATGATGACGACGATGCTGCTGCTGCTGCCTGAAAATTTGAACTAA  
CCCATAATTTTAATGAGAATANGGGGCTGATGGGAGGG

>trans\_c\_3772 NM\_105106|Arabidopsis thaliana myosin heavy chain-related (AT1G64320) mRNA,  
complete cds

AAGAAACAGAAGGCCTAAAAAAGAGGTGGCAAACCTTGCAAACAACCTCAAGATAAGAAAGAAAGAGAA  
TCAATACTTGTAGAACAAGTTGAGAAATTGGAGACTAAGGTCAACAAGGAAGGATCTGAGAAGGATGGATTG  
GTTCAAGCAATCCACCAACTTGAAAAGAGACAGAGAGAACTAGAGAAGATGATGGAAGAGAAGAATGAAGG  
TATGCTGGGCCTGAAAGAGGAGAAAAAAGAAGCGATAAGGCAACTTTGCATGTTGATCGAGTAACACCGTAA  
CCGCTATGATTTTCTCAAAGATGAGGTCTTAAAGCTGAATGTTAAAGGAGGCCAGAGTGTAAGATAGTATGTA  
AACAAACATAATGGAGATTATTCGAGAAATAATAAAGATAAATTGTAGAGAAATGAGAAAAAAGGCA  
CCATGGATTGTGGCTCCTTGATAGGCATTATGTTGGTGGATGTGAAATTCCAAGATAACCCTAATTTTATTAG  
GGTAATTGAGGATTTATTTCTTTCTAAATGCAAATCTCTATATTCAAAGAGAGAGTTTGACATTGTATAGC  
TAGTCATAAAATTGCATGAAAAATCCCTAATTTGGCTAGGGTGATGGGGACCTTTATGTAGAAAGCAAAATT  
TGTCAATGCACTAGAGGATTTGGTAATCCTAGAGGAAGACGTAGATTGGTCGAGATCAAGACCTAGTCACATC  
GAGAGAGTTCATGGAAGATCTAAGAACATGGGGAGATGGCTTGAGAAATTAGATTATATTGAGTATTCTTT  
CTTTGTACATTTATTTGTATTATAGGATTTGTTGTAGATTTT

>trans\_c\_3773 AY172330|Populus balsamifera subsp. trichocarpa x Populus deltoides rapid  
alkalinization factor 1 precursor (RALF1) mRNA, complete cds

ACTGTGAACTCCAAGAGCAAGAGACGAAGCACACCCCCACCGACGATTCGCCGGAGCAACACCGCCGGAGCT  
GAAGAACTGTCAATTCCGAGTAGAAGACACTGAGAAACGAAGACAGAGAAAGTACGACCTTTTTTCTTGCAT  
GGCAATGGCCGGATTCAATTCTCCGACCTTCTCCTGATCTCCGCCGCCGTGTTTCTTATCTTCAGCTGTTCTC  
AACCGCCGTCCACGCCGGTATTGGGATCCAAACAGTCTTGATGGATTCTAATCAATCTACCTGTAAGGGC  
TCCATAGCGGAGTGTTTCGGGGGAGAGGAGTTGAATTTGATTAGAAATCAACCGCCGTATCTTGGCAACTA  
GCCAGTACATCAGCTACGGCGCTCTTCGGAGGAACAACGTGCCGTGCTCGAGACGTGGTGCGTCTTATTACAA  
TTGTCAGCCCCGAGCTCAGGCCAATCCCTATAGCCGTGGATGCAACGCCATTACGAGGTGCAGGAGTTGAGT  
AATTTGTTTGTACTCTTTGTTAATAATCTCTCTCTCTTTTCAATGTTTCATTGATCCTTCCCCCCCCCTTTTATCTT  
TTCTTTGATATGGCTTTGATTGTTATACAAATTGAAAAAGGGGACATTGATCATATAGCGTCGTTCTTGTTGTT  
GTAAGTGTTGAAAATTGTTGTGTGTTAATTAATTATATATCTCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTGGC

>trans\_c\_3774 AY224132|Malus x domestica non-symbiotic hemoglobin class 1 (GLB1) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3775\_BT025734|Arabidopsis thaliana At1g03730 mRNA, complete cds

>trans\_c\_3776 NM\_001051753|Oryza sativa Japonica Group Os01g0920200 (Os01g0920200)  
mRNA, complete cds

ATCGTCGTCTCCAGTCAGCTGTTCTCTCGCGGTGTAGTTGGACGCGCTGTGTCGCCGTGAAAGTGAAATTTTTTT  
CAACAACAATCTCTAACCATAATCTTTGATAATTGAATGAGGGCTTCTATTAATCGGCCTCCGACGCCTGAACC  
GGAGGATGATCGAGAACACCAACCACTTTTCAAGAATCAATCAACATCAAGCTGATTGAAAGTGGTGAGAA  
AGAGCGGCTGAAAGAGCTCTTGAGAGAGAGGGCTCATTGAATGCGGCTGGAAAGATGAGATGAAAGCACTCT  
GCAGGGCATATGTAAGGAAGAAAGGAAGGAACAATGTTAGTGTTGATGACCTTGTGCAGGTCATTACTCCA  
AAGGCAGAGCCTCAGTTCAGATTCAGTGAAAGCCGAGCTGCTGCAGCGCATCCGATCCTTCCTTGCATCAAC  
AGCCATTTAACATAACGAGATGACTACAAGCTGCAGAAAAGTATCTCCTTCATATCCTTACTAAACCGGCTAA  
AACCAATTAATCTATACCTATAAAATGAATTTGTTTGAACCTGTGCGAATTTTATCGATTCTGTTGGAGAATCCA  
GTCAAGTTCATCTTCAGGTTATGAAGAATGTCGATTGTGTAAGCTCGCAGTCAACGAGAACCGGGTTGGTG  
AGTGTTTTTGTGTAGAATATGCATGTAAAAAGCTAGCTGTATGAGATTTATGAAAGACTCTCTAACTTTTCATG

ATAACAAGTCTGTTTTACTGAAAAATTGGTCAATCGTAACTCTTGGTTGGGTCTACTTCAATGGCATATTATAT  
ATTTTTGGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3777 XM\_002892268|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleotide binding protein, mRNA

TCCACGATTTTTCTCTCTCGTCCTCCCCGATTCTGCTCTCCCTTCACCGCCAATATCGAAGTTTTCAGCGTCGATC  
ACCCCTTTCTCCGCCGCTGTCATAGTTGTTGATCTCCCTCCGTCAGTGAAGATGCGCATAATCTAGGCCAGAA  
ACTCACGGATACCAAAATGATCTGAATGCTTGTTGTTCTTCATGGTGAATTTTTCTCTTTGTTGTGCTTGT  
AGTTCTTAATCTTATTTTACAGTATGAACAATTAGGCTAACTCCTTTAATGGCCGTATTAGATCTCTTATTAGAG  
ATGGGATCGGCGAAGGATGAGCAATTTCCATGTTTGAGGAGAAGGTAAAACGGAAGTGTGTATGTTGATAAT  
CTCTCTCCTCAAGTAACTGAACCTGTTTTGAGAACTGCTTTAGATCAGTTGGGACTGTGGTCAATGTCCATTTT  
ATTCCAAATTACACGGAGCCAATTAATAGCTCTCAATGTGCTCTAGTGGAGATGAAGGATTGAAGGAGGCG  
AAATCTGTGATCGCCGTTATAGCTCAATTCCTTTTCATGATGTCTGGAATGCCGAGACCGGTGAAGGCTCGCCC  
TGCCGAAGCAGAAATGTTTGATGATCGTCCTGTAAAGCCTGGTAGGAAGATTAGCTTTAGATGGCTGGAAAG  
TGATGATCCTGATTTTGAAGTGGCCAGACAAATCAAGCGTCTTACGAAGAAACATGTGGCTGAAGCTGCATTT  
TTGCTCAAGCAACATTTGGCGGAAGAGGAAAAGCTTGCAAAGCAGCAACAAGAAACGCTGAGAGGAAACTA  
CAAGAAATATGAGATTGTAGATAGGGAATGGCCG

>trans\_c\_3778 NM\_105687|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L12 family protein (AT1G70190)  
mRNA, complete cds

GTCTCTCTGGAGCTTACCCACCACCCTGTCTCGACGACATTGAAGCTTCTTCGGCCATTATCGCCGGCAATCCA  
CCAATATCCTCACGGCTCACTGTAACCCACCACGCTCCCTGCTTCAGCGTTTCGCTCTCATTTCTGGGTTGCATT  
CATTCACCCTCCCTCAGCGCCTAATTGTCATCTCTCAGCGCCACTGAATTGTTCTTCGGAACTCAAAAATGGGT  
TCGATTTAAGTAGATTGCTACTTCAGGGGGAAAGTTAAATTTGGTAACTTGAGAAATGCGCTTAGTTTCAAGA  
ATAAGTCATCTTCTACCCAATGTGTTTGCAAACACCATTGCTCTTCTACAGTTGCCCTCAATCCTCTCAACAGA  
AATGGAGTGCATAGAAATTATGCTCAACCTTCTCGGATAGAGGAGGAAGAGGAAGAGGTGGAAATTGATCA  
GAGAAGGCTTCAGCTGACTACGATCCTGCTAATTTTGATCCAACAGAGCATCGTAGTCTCCAACAGATCGT  
GTTTTTAGGCTAGTAGATGAAATATCTGGACTCACATTAGTTGAAGTTGCTGAATTATCTTCCATTTTGATGAA  
AAAATTGGGAATGACAGAGATGCCAGTTGCTGGATATATGAAGCCAGGAGCTGTGGGGTTGGCTGGAATGG  
TGAAGAAGGTGTCATCAGCAACTGCTAAGGAGGAGAAGAAAGCAGAAAAGACTGTTTATGAGTTGAAACTA  
GAGTCTTACGAAGCGTCTGCAAAGATTAATAATTATCAAGGAGGTAAGAAGTCTACTGATTTAGGTCTCAAAG  
AGGCAAAGGATTTAGTGGATAAAGCCCCATCGGTGTTG

>trans\_c\_3779 AY785504|Arabidopsis thaliana At1g77850 gene, promoter region

TCTCGACTACTGAAGAGAACAAGTCGTCAAAGAAGTCATCTGAGCATGAGAAGTCTGCAGCCAATGGTAACA  
AGAATGGAAATGGAGTTTCTACACATGTTTCCCTCATTCAAGAAATCAAAGATCATTTGAAGAAAGGTTCTCTC  
ACAACCGATCTCAAATCGTTCTTGGAATCCCTCTCTGGAACGCAAGAGATTGTGAACGCCTTGGTCGAGG  
CTCTATTTGATGGTGTGGCAAAGGCTTCTTAAGGAAGTAGTGAAAAAGAAGAAGTTCCTTGCTGTAGTCGC  
TGCTGAGGAAGGATCACAGATAACTCTTCTACGCTCCATCGAATCTTTTGTATCAACACAAGTCCAGAGGCG  
GGTAAGGAGGTTGCCCTTGCTGAAATCATTATATGATGGCGATGTAATAGAGGAGGAATTCGTACTAGAG  
TGGTACAAGCAGGGTGTGGCTGGTGCAAACAAAAGCTCTCAAATCTGGAAATACGTAAAGCCTTTTCATTGAAT  
GGCTCCAAAATGCCGAGTCGGAGACGGAAGAAGAGTAAGAATAATATTACTGCACTCCTTTTGTATGGTAT  
CCACTGCCTGTGCGTCAGGGCTTTTAATTTTACTGTCATAGCTTTTTGTTTAGCATTTCTGGAATAAGGGATCAT  
CGTTTGTTCCATTGTGTTGTGCTCATGTCTGTGTTTCGCTTCGGTGTGTTGGGTTATATGAACCTCGTCTTT

GAACAATGGTATTGTGTTTGTGTTTCTTCAACTAGTAGCGTGTACCTCTTTAGAGACCTGCTTTTGAGTCTTT  
ACCGAACAATGTGGAATTTCTGGTTCCTTGTCTT

>trans\_c\_3780 EU189221|Gossypium hirsutum 14-3-3b protein mRNA, complete cds

AAACTCTTCCTTTCTCATCATCCTCTTCTCTCTATTTGATTCCGCCATTTCCAAACTCTTTCCCGATCTTATTGTT  
CCTTCTTTGTTCTCTGGCAATGGCGGTACCTCTTCCCCTCGCGAGGAGTATGTTTACATGGCTAAGCTTGCCG  
AGCAAGCTGAGCGTTATGAGGAGATGGTCGAGTTTATGGAGAAGGTCTCCGCCGCTACAGATAACGAGGAA  
CTCACTGTTGAGGAGCGGAACCTTCTTTCTGTTGCTTATAAGAATGTTATTGGAGCACGTAGAGCTTCCTGGA  
GGATTATTTCTCTATTGAACAGAAAGAAGAGAGCCGAGGGAATGATGATCATGTCTCTGTCATCCGAGGTTA  
TAGACCTAAGATCGAGACTGAGCTTTCTAACATTTGTGATGGCATCCTTAACTTCTTGACTCTCGTCTTATTTCT  
CTCTGCTGCTTCTGGTGATTCCAAGGTCTTTTATCTTAAGATGAAGGGCGATTATCATAGATACCTTGCTGAAT  
TTAAGACCGGAGCTGAAAGGAAGGAAGCTGCCGAAAGTACGCTCACTGCTTATAAATCTGCTCAGGATATTG  
CAAATGCTGAACTTGCTCCTACGCACCTATACGACTTGGGCTGGCCTTGAAGTCTCAGTGTCTATTATGAG  
ATTCTGAATTTCCCTGATCGTGCTTGCAGTCTTGCTAAACAGGCTTTTGATGAAGCAATTGCTGAGTTGGATAC  
ACTGGGCGAGGAATCGTACAAAGATAGCACTTTGATCATGCAACTTCTTCGTGACAACCTCACCTATGGACTT  
CAGATATGCAGGACGACGGAGATGAGATTAA

>trans\_c\_3781 EF421195|Nelumbo nucifera small molecular heat shock protein 19 (HSP19) mRNA,  
complete cds

ACTCTTCTTCACTTCAAGTTCACCTCTCGATTTTGCCGGCGGAGCTTTCTGATCCTGACCAACAATGTCCATAATT  
CCAATCACCGGTCAAGACGGCCGTGTTTCCAACCTTCCCCTTCGAACATCCTCAATCGCTTCCCAAATTTCCCC  
TTCCCTCTAGATCTATGGCACGATTTCCCTTCCCTTCTCAATCTCCGATCCCTTCTTGGGGAGCCACCGTCA  
ACACTCGCCTCGATTGGACTGAGACCCCTAACGCTCACGTCTCAGAGCTTCCCTTCCGGCTTTGGCAGTGAA  
GACGTTCTCGTCGAGCTTCAGGATGATCGGATGCTTCAGATCAGCACTGAAAGCGGTGGTTTTGTTAGTAGAT  
TCAAGATTCCGGAGAGTGGGAAAATTGAGGAGTTGAGTGCGTTTATGGATTTTGGGGTCTCACCGTGTTTGT  
TCCTAAAGACGAAGATGATCGGAGTGGACGCGATGTACGAGTGGTGGAGATCACTGGGGAGTAGAGTTCGC  
CATTGTAGACAAGTAAGACTCTGAATTTCAATGTTGTGTTTAGGATGAGAATCTGCTTATGATTGTATGTGGTA  
TTGTACTTTGAAGTTGGATTGCTCACCATGTGTTTGATAAAATGTTCCGTGGCTGTGGTAGTGTAATGTATG  
GATTCTATGTTTATCTTAGAATGTAGATTTGTATCAATATAAAATTTGTGACGGTTTTCTAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTGTTAGTTTAAAGTTAAATTTGTAATTATTTGTTGGAATAGGATGCTCCC  
AAGGACGTAAATTATATACGTACTTGCTAT

>trans\_c\_3782 NM\_001054578|Oryza sativa Japonica Group Os02g0734900 (Os02g0734900)  
mRNA, complete cds

AAACCGCTACACCAAAATCAATATCCTTCGCCTCCAAGAAAAGCATCCATTCAATTTCAATTCACAGATCTATCT  
ATCAATCTCACTTACTCTTTTTCTTCTCTGATCTACATCAATGGCGTTGGAATGGGTCGTTCTTGCTACGCC  
GCCGCTGCCGAGGCAATCATGGTCCTCCTATTGACCCTCCCAGGCCTCGATGGTCTCCGGAAGGCCTAATCG  
CCGTCACTCGAACCTTCTCAAGCCATTCTTTCCGTGCTCCCTTTTGCATCTTCTTGCTCATGGATATCTATTG  
GAAGTACGAGACTCGCCCCACTTGCGAATCGGACTCATGTACCCCATCTGAGTACCTTCGCCACCAGAAATCG  
ATCATGAAGAGCCAACGCAACGCGCTCTTGATCGCTGCTGCTCTTGTGTTCTACTGGCTGTTGTAATCTGTAC  
CCATTTGGTTGTTAAGGTTGAGCAATTGAACCAGCGTGTGAGAGATTGAAGAATCGGGATTGAGGATGGAG  
ATGAAGTGCGAATCGTGGGTTTTCGAGTAATTGGGTCTGTTTTTTTGTGTTTCTTTTTTTATGCTTTGCGATTTT  
TTTTTTATATCTCGGGTTTTGATGCTATGTTATGGTAATGGCAGCTCGTTTTGTATTCCACTTTGATACTCTATT  
AGATGTTATGAACTGAATACAACCTTGAATGTCTTGGCGTCTGATTTAAATGCTTGCGGATTATGAAGTTCC

TATTTTAGGGTGTGTTTGGGACTCTGTTTTATGTTCTAGTAATTATAACTGCTTTGATACTAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3783 AY065454|Arabidopsis thaliana At1g73950 mRNA sequence

AAACCTGAATTATACAATACCAATATCAACTGACTTGTATTCTACTGTCATTGTTAACTACCCTCACCAGAAACC  
CACTTCTTTACATTTGAAAAATGAGAGGAGTTCAAGCAAGGTTTAGAGTTCAGTATTGCAACTGCATTTTCTAT  
ACCGAAGTATCTTTCTTGAATCAGTATTTATAATGAACCAACCACCAACACTTCCAATTCTTTCACTATAACCG  
AAACTCTTGTCAATTTCCACCATCAATATGCACTTGATTCTTCCTTTAGATTGGTTAAAGATCTATACATCATAT  
ACTGGCAAGCGTCTTCGATAACTACGCGACATATTGGGCACTTTTACACTTCTCAGAGCAGGAACTGCATAG  
TACGCGATGCCTACACGGAAGAAGAACCACGCTAATTTCTCCCTCAAAACAAACCCGACATAACACCTTTTCCT  
GTTCAAAGCCCCAGGTTTACCAATGAAGTCAACATAATAATAGAAAGAGACCACAAGAATTAACCATTGACAA  
TGAAATTCTGAACATTATAGCCAAGACACATCATATTACCAGAAAAACAAGATATATTGAAGCCAATAAAGA  
AGATCGATAACCAAAAAGCAAAAGTTTAGACAGATGGAAAAACAATCATACTAAAAATCAAATAGTATCAGATC  
AAGCAAGCCTAGCAAATTTGGTAGAAACATGTCAGACATATGGTTTAACTGATTCAGGGATTTATCCAGGATT  
GTTTAAATCTGTAAAGAAAATAAGGAAAATTTACATTTTGAAGCTTTTCATATTCCTGCTGACTGTATTTGGTG  
ATTTCTGTCTGCTCTCCGAGTGCAGCTTG

>trans\_c\_3784 XM\_002885899|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SWIB complex BAF60b domain-  
containing protein, mRNA

CATCGGGAGCGCGCTCCCGAAATTGGAGCTTCTCGAGTTATCGCTCTTACCGCTTCACCTTCTTCGCTTTATCC  
TTTTTTGAGAACAACCTTCGTCCTCACTTACTTCCGGCCATGGCTTTCCTCTCCACCTTCATCGCCGTCAAAC  
CGTCGCTCCTCGTCGTCAAACCTCCCCACCACCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCAAGCATCTCAATCAACT  
CCCTCTCCCTGATTTGCGCTTCCCCGCACTGTTACCTTCGCTTTCGCTTCCAACCAGGCCACTGCCCCCGCCG  
GGAGCCCCGCGGCATCACGAAGCCCAGGAAGATTTACCGGAGTTGCAAGCACTTGTGCGCGCTCCTGAGAT  
TTCCCGCACCAAGCTCTTAAGGTCATTTGGGCTTACATTAAAGAAAATAATCTTCAGAAACCAAGCGACAAG  
AAAGTCATAGTTTGCATGAGAACTGAAGAACATATTTGGAGGGAAAGATGAGGTTGGATTTCTGGAGATT  
GCAGGTTTAATAAGTCCACACTTTCTATAATTATTCGAAGTATGGAAGATAGACATAATGGACCTTCTTTGAG  
TCCATGAAGATGAACTTTTTTTTTCTTTTGTGTGGGAGGCTCTCAACTCAAGTATTGCTCACTGAATCCTGT  
AGTTCAGAGCCCACATCTTATGATTAGTAGTTAAATAGAGAGAAAGAAAGCTTTTGTAAAGAACTATGATTGGT  
GGTCTTATGTAGAGATTGTTATATGGAAATCTCTTTAATTATGAGTTTTTGGGTATAATGTTTCACTTTTCCGG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3785 NM\_001059944|Oryza sativa Japonica Group Os04g0533300 (Os04g0533300)  
mRNA, complete cds

ATCGTTGTTGAAAAAATTTGTAGAATTTTCATTTCGAACCTTTTTTTTTCTTCTTCTTTTGTAGCGATACGAATTT  
TGATAACGATGGTTACGGCGCCGGAAAATTCGATTCTACTCTGGCTCCTACTCCTCCGCCGGCGTCAGTTCCT  
GCTGGAGTTCGAGCGAGGCTGTGGAGGATAAGGAAAAAGCTATGGTTACAGTGCCTATCGTTAATAAACT  
AAAGAAGATCCTGTACCAAAGAAGGCTTCGGTGGATCTATTGATAGGGATATTGCTCTTGCCGAGGTTGAAA  
AGGAGAAAAGGTTCTCCTTCATCAAGGCCTGGGAAGATAGTGA AAAATCCAAGGCTGAGAATAAGGCACAAA  
GGAAGCTCTCTTCTGTATTGGCATGGGAGAACAGCAAAAAGCCAACCTGGAAGCCAAGTTGAAAAAATTG  
AGGAAGATTTGGAGAAGAAGAAGGCTGAATATGGAGAAAAGATGAAGAACAAGTGGCTTTGATACACAAA  
GAAGCAGAAGAGAAAAAGGCCACAGTGAAGCACAAGGTCAGAGGAATTGCTAAAGGCAGAGGAAACAG  
CAGCAAAATTCGAGCAACTGGAACCATTCCAAAGAAATTTTTGGGATGTTTTGATGAGAGGTTTCATTAAT  
TTATTACGAAGCTTTTGTGTTGTTATTGTTGATGTTACGTACGTATGTTTATTCATATAAGTAATGTGTCATTGT

CCTAATGTATTATGTTTATTTTGTAATGTTGGTGCCCTCTGGTTGGTGTGGCCTTGTTTGGTGTGTTTGGCCC  
ACAAATCTTCAACTGTTTATTATTATTTTTTTGGGTTTT

>trans\_c\_3786 HM122429|Malus x domestica ALF domain class transcription factor (ALF2) mRNA,  
complete cds

TCTTCTCTTCTCCTTTCTCCCTCCCCACACTGTCCTCCCTCACAGTCAGAGGTCAAATATTTGGCTGTTTTTTCT  
CTTCTTTTCCCTCCTTTTGCTTCCCTCCCCCACCCTCCTCTCCCCATGCTTCTCGATCTGTAGTTCATTCTTC  
TCTCTCTCAATTCTTCTCCTCATCCTCACTCTCTATTCCACTTCTGCTTCTTCTAACTTCTACTTTCAACTTGTGAGC  
TTTTTTCGCTATGGACGGCGGTGCTCCGTACAATCCACGTACCGTGGAAGAGGTGTTCAAGGGATTCAAGGGC  
CGTAGAGCTGGTTAATCAAAGCTCTGACCACTGATGTTGAAGAGTCTACCAGCAATGTGATCTTGAGAAAG  
AAAATCTTTGCCTTTATGGATTTCCGAGTGAGCAATGGGAAGTCAATTTACCTGCGGAAGAGGTGCCTCCAGA  
GCTCCCAGAACCTGCACCTTGGCATAAATTTTGCTAGAGACGGGATGCAAGAAAAGGACTGGCTATCATTGGTT  
GCGGTTCATAGTGATGTTTGGTTGCTCTCTGTGGCATTATTTTGGAGCTAGGTTTGGGTTTGATAAGACAGA  
TAGGAAGCGTCTATTTAATATGATAAACGATCTTCCAACAATATTTGAAGTAGTGACAGGGACAGCCAAAAAA  
CAAGTTAAGGATAAATCATCAGTTTCAAATCATAGCAGTAATAAATCTAAATCAAATCAAAGCGGAGTTCCG  
GACCCCAAATAAAAAATACAAAAGCTGTTCAATCAAAGGACGAGGAAGAGGAAGGCTTGGAAGAGGAAGAC  
GAGGAAGAACACGGAGAAACACTTTGC

>trans\_c\_3787 XM\_002877781|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acyl-CoA oxidase 4 (ACX4), mRNA

AAGTAGCCACATGGTTCATTCTGTCTTTTTACCGTTTGAATCGGCGTTCCGCCATATTCATTCCCTCGAT  
CTTTTTTTTTCTTTCTCTCCATTGTTGATCTCCGATTAACAAGATACGAGGCTCGTTTCAAATCTCAAACCCAC  
TCCAGTGTCATAGCTTCTTATTATTCGTCCAATCATGACGGTTGACGCCAAAGTGAATCGCCAAGATGATAAGG  
ACAAGAATGCAAGAAGTGCCTACTTCGGTTTACCGGCGTGGATGTTTCTGTTGCATTCCCTCAAGCCACGTCT  
GCATCCTCCTTCTCCTTCCGTCTCAGACTTCTATCAGTTCAACGACCTATTGACTCCTGAGGAGCAAGCTCTC  
AGAAAAAAGTGAGACAGTGCGTGGAAGAAAGTAGCTCCAATTATGACAAAGTATTGGGAGAAGGCAGA  
GTTTCCATTTGAAGTTGTCCAAAGCTTGGTAGCTTGTGCATTGCTGGTGGTACTATCAAGGGTTATGGGTGTC  
CTGGTCTGTCTATTACTGGAAGTGCTGTTGCTGTTGCTGAAGTAGCAAGAGTTGATGCAAGTTGTTCCACTTTC  
ATTCTGGTGCATTCATCGCTCGCAATGCTCACCATCGCTCTATGTGGATCGGAGGAGCAAAAGCATAAATATTT  
ACCTTCCTTGCCAAAGTTTGATACCGTCGCTTGTGGGCTTTGACTGAGCCTGAAAATGGAAGTGATGCCAGT  
GGTTTAAGAACAACGGCAACAAAGGTTGAAGGAGGTTGGGTAATAGAGGGGAAAAAACGCTGGATAGGAA  
ACAGCACATTCGCTGATGTATTGGTTATTTTTG

>trans\_c\_3788 AM260972|Picea abies partial mRNA cinnamoyl CoA reductase (ccr gene), isolated  
from cambial sap of adult tree

AACTCACTTTTTATCTTCTTCAAACCTTCTCTCTGATTTCTTCCCCCATCCTTTCATATTTTAATTTTACCACT  
ATGCCGATCGACACCACCGCAGTATCCGGTGAAATTGTGTGTGTGCACCGGAGCCGGAGGCTTCATTGCTTCAT  
GGCTTGTAAGCTTCTTCTTGAGAAGGGATACACTGTTAGAGGAACCGTTAGAAATCCAGATGACCAAAAGA  
ACGCTCATTTGAGAACTTAGAAGGAGCTAAGGAGAGGCTTCTTTGTTTAGTGCTGATCTTCTGATTTTGAA  
AGCCTTCAAGCAGCCATTATGGGTTGTCATGGCATTTCACACTGCGTCTCCAGTCACCGATGACCCTGACAA  
AGTGGAACAAGCAATAATCGGAACAAAGAACGTCATGACCGCCGCTGCTGAAGCAAATGTTGACGAGTGGT  
GTTACATCGTCGATTGGCACCGTCTACATGAACCCAAACAGAAGCCCGACACGGTGGTGGATGAGTCTTGT  
TGGAGTGACCTTGAGTTTGCAAGAATACAAAGAATTGGTATTGTTATGCAAAGACAAAGGCAGAACAAAGCA  
GCATGGGAAGTGGCAAAAGAAAAAGGAATTGATCTTGTGGTGGTGAATCCAATGTTGGTATTGGGACCAATG  
TTGCAGGAAGGAGTGAATGCAAGTGTGTTTCATATAATGAAATATTTGACAGGATCAGCAAAGACATATGTA

AATGCAGTACAAGGTTATGTTGATGTTAAGGATGTTGCTAAAGCTCATCTTTTGGTCTATGAAACTCCCTCAGC  
CTCAGGAAGATATATTTGGCGTGAGAGTATGCTTCAT

>trans\_c\_3789 BT008748|Arabidopsis thaliana At4g14500 mRNA, complete cds

AATGCGAATTCCTTCGGGAATCTGTCTCGAAGAGGGCAGAGCCTGGTGGAATTCGATTGCTTAGAGAGAATC  
AAAGAAGAAGAAGACGGATTATAGAATTTTCATTATCAGTTTTGGATGTAGTACTTCTCATTCCATTCCAATCGT  
TTTGAATTCGTCTCTTCCTCTTGTCTGAAAATGGAAGAACTTTCTTTGATCTTGTGGAGTTTCTCAAGAAGCC  
CTCAATCGCCGAAACATTTGTGACATTTTGTCTATGTGCAGTTCGATCTGGCTTGCTGTCATGATCGGCCTCG  
TTATCGGTTGGTCTCGGCGTCTCGTTGGACTGGATTGGTTTTCTCGGCTTTCGGAGTAAGTTTAGATTGTTG  
TGGACTGCTCCTCTGGATTGGAGCTCGGCGGCTTTGGTTGGCCTTCACGGCTTTATCTGCCTTCTCAGTTTG  
CCGTACTCTTTGGTCCAATTTTTATGGGAAGAGGAAGGCACCGCCGGTACCGCCGACCCCGGATTCTCCGGTG  
TCATCCACGTTGGTGCACCTCGACAGAAGGAAGCGGGGATGTAATTGCCAATAAAGATGAGGGAAAAGAGCA  
GGATATTGTTACGGAGAATGATTTAGATCACCTATTGCAACTTCTGAAGGAAGGCATGGGGAGGCAGAATG  
GCAAAGTATGATGCAAAGGTGACCCCCAACTTTGCATATGAAGCCTGGCGCCTTGAGCCTGAGAACAGACC  
AACTGTTTATCGCAGTAGAACTGTCTTTGAAGATGCAACCCAGAGATGGTTAGAGACTTTTTCTGGGATGAT  
GAGTTTCGGACTAAATGGGATCCCATGCTTACGTATTTT

>trans\_c\_3790 AY075601|Arabidopsis thaliana AT4g32270/F10M6\_90 mRNA sequence

AATCGGTTCTTTCTGTTTTTCCATTGGCCTCCCTTGACCTGGCGTCTCCCAAACGGTTTTTCGCGCTCCACATCGC  
CCTGTTCTTCTCCCAAATCCCAATTCCTAATCCATTTCTACTCTTCACAGCCAAGGCAAGGTCAAAGATGTCACT  
GAAGCCGTCGAATTCGAGAAGAATTTGATGCTGCCGGTGTGAGATCCTCCTCACGGAAGTGAAGACAAAGA  
CCGATTGATCAGAGGCGATGAGAAGCTCTTATAGAGGATCCTCCATGACCAAACAAGGAGCCTATGCTGCTCT  
CTCTTACATGGCTTGTGCACTGCTGTTGGTTTTGTTCAACAAAGCAGCGCTATCTTCTTATAATTTTCCAAGTGC  
AAACGTTGTTACACTTGTTTCAAGATGGTATGTTTATGTTGTTTTCTATATGCATTGAGACGCTGGAAAGTCATAT  
CTTTTACGGTGGGTGATTCTTTTCTGATAATGCTACTTCAATGGTCCCAATTAAGACATTGAGGCAAACAGT  
CCTCTTGCAGGGACGTATTTGCTTTACATGCTACTATGGAGTCTGTTCTGAGTAAATGTTCCCATGTACACT  
ACCTCAGGCGAACCACAGTTGTTTTCACAATGGTTGTAGAATATCTTCTGGCAGGACAAAAGTATACATACTC  
AGTTGTTGGAAGTGTGGTTTGATAGTTCTTGGTGCATTTATTGCTGGAGCTCGCGATTGTCTTTGACGTAT  
ATGGCTATTCTATTGTTTTCATGTCCAACATCACCACAGCAATCTACCTTGCAACTATTTTCCGCATTGGAAAAT  
CAAGTGGTCTTAATAGCTTTGGCCTCAT

>trans\_c\_3791 XM\_002313752|Populus trichocarpa phenylcoumaran benzylic ether reductase 3  
(PCBER3), mRNA

AGAAATTTTATAATTTAAATAATTTCTTGATCGAAACTATATATTTTCGCACTCATAGATATAGATATCATCTT  
CTTACCTTAGTTCTTTCCGTTTTGTAGCTCACCGTAACAACCTCCGATCAGGTTTCATTTCGCTGAAACCTTAATTC  
AATGGCTCAGAAGCTCAAGGTTCTCATCATCGGAGGTACTGGTTACATCGGAAAGTTCGTAGTAGAAGCCAGT  
GCCCCAGCAGGTCATCCAACTTTTGTATTGGTCCGCCAATCTACGCTCTCCGACTCCGCCAAGTCTTCGATCATC  
GATAGTTTCAGGAACTTAGGTGTCAATTCGTCTTCGGTGATATCTTCGACAATGAGAGTCTGGTTAGGGCAA  
TACAGCAGGTCGATGTGGTGATATCCACCGTTGGTCGTGGTTTGTATCCCATCAACAAAATATCATATCTGCT  
ATCAACAAGCTGGCAATATTAAGAGATTTTTCCCTCGAGTTTGGCAATGATGTGGATCGTGTTACGCCCGT  
GGAGCCAGCAAAGTCGATGTTGCCAGAAAGGTTGAAATTCGTAGGGTTGTTGAGGCAGAGGGAATCCCCCA  
CACATTTGTAGTTAGCAATTTCTTCGATGGTTACTATCTTCGCAACTTTTCTCAGCCAGGAGCTACCGAACCACC  
TAGAGACAAAATCAAAATCTTTGGGGATGGAAATCTCAAAGTAATTTACAACAAGGAAGAAGACATTGGGAC

ATACACCATCAGAGCCATAGATGATCCAAGAACCCCTTCACAGATCTTGACATTAGACCTCCTGCGAACATCT  
ACTCGACGAATGAACTAGTCTCACTATGG

>trans\_c\_3792 AY061648|Nicotiana tabacum bZIP transcription factor (BZI-1) mRNA, complete cds

TTACTTCCTCATCCGTGGTGCCAAAAATATCTGAGGTTGAGCTCGGCCTGTTACTAGTGGATCATCAAGAGAT  
CTGTCGGATGATGAGGAGATTGAGGGGGAACTGAAATAAATGAAAGCAAGGACCCAGCCGATGTGAAACG  
TGTAAGGAGAATGCTATCAAACAGAGAATCAGCTCGACGATCAAGGAGAAGAAAGCAAGCCCATTAACTGA  
ACTTGAGACGCAGGTTGCCAATTAAGACTTGAAAATTCTACCTTGTTGAAGCGCCTTGCCGATATAAGCCAA  
AAGTACAATGAAGCCAATGTTGATAACCGAGTTCTAAAAGCTAATGTTGAGACATTAAGAGCAAAGGTAAAG  
ATGGCTGAAGAGACCGTCAAGCGAGTTACCGGTAACCCCATGTTCCATGCCATGTCTGAGATCTCCTCCATTG  
GCACCTCTTCACTCGACGGTAGCCAGTCCGATACATCAACAGATGCTGCTGTTCTTTGCATGATGATCCATGT  
CGTCATCTGTATCAATCAACACCTAACAACCCCGTTGGGCCACACGACATAGTTGTCAACAACAGATTGCCTAA  
CATTTACAGGTGGGCAATGGGCAACAGAATTCTCCATCTCAGGTACCGCCAGCCATGTCAGGGAACAAGAC  
CGGAAGATCAGAGACTCTGCAGAGAGTGGCTAGCTTGGAGCATTGCAAAAACGGATCTGTGGAGTGAAAG  
CAAATGCAGAGCAGTAGTAGAAACACAACAGGCAAGATCTGGAGATGGCCCTTGATTACGAATGGTTTATT  
TTTGACCTCATGAGCTGAAACGAGATTTAGTTGTGGAGATTGG

>trans\_c\_3793 HM122454|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH16)  
mRNA, complete cds

CAACCAAACACTTCTTTACTACTCTCCATCCATGGTGATTCCCAAGCTTTTTTAGTTCATTCAACTTTTTTTTCCAA  
AACCACCAATGGACTACCCTCCACCAAAGTGAATTGGCTCTTCGATTGCTCTACAATGGATGATCTCGCCGTC  
GTCGACCTCGATTCTCGCCCCACAGTCCATCAGTTTCTCCTGGTCCAATCCCTCGATCAGTTTTGTATCTAAA  
GACAGCCTTGAGGTAGATTGCTCATATGAAGATCTAGACAGCACAAAGGAAGTGGGTCGAAACGACTAAG  
GGGTGAAACAAGTGCTGCATCTACCTCAAAGCCTGCAGAGAGAAACAGAGGAGAGATAAGCTGAATGAGA  
GGTTCTTGGAATTGGCTGCTGTCTGGAACCTGGAAAACCCCAAAACCGACAAGGTTGCAATCTTGAGCGA  
TGCTATCAGAATGATGACTGATTTACAATGTGAAACTCAGAAGCTGAGAGAATCAAACGAGGATTTGAAGGC  
AAAAATCAAAGAACTAAAGGTTGAGAAAAATGAACTTCGTGATGAGAAGCAAAGGTTGAGAGCAGAGAAAG  
AAAAGTTGGAGCTGCAAATCAGAGCAGTGAACACTCGAGCAGCTGATGTTGAGCATCCTCCCCCTACACTATC  
AGCTGCATTTACAGCACAAAGGGCAAGCGGCTGGTAACAAATTGATGCCCTTTCATTGGTTATCCTGGCATTGC  
CATGTGGCAATTCTTGCCGCCTGCAGCCCTCCACATAATCACAGGATCATGTGCTTCCCTCCACCAATTGCTT  
AAAGGGGAGGACAAATGATTTGGTTTGGTTTGTAAAGT

>trans\_c\_3794 AJ272011|Nicotiana plumbaginifolia mRNA for oligouridylate binding protein (ubp1  
gene)

AGAGCCCCCAATTCAAGATCTTCTTATCCTCCATCTCAATCTCACTATTCGTGGAAGATGCAGTATCAGAGGCT  
TAGACAGCAGGCAATGATGCAGCAGTCTCTGTATCCCCATCCTGGCCTCCTCGCTGCTCCTCAGATAGAGCCTA  
TCTTGAGTGGAAACCTGCCTCCTGGCTTTGATTCAAGTACATGCCGCAGTGTGTATGTTGGAAACATTCATCCC  
CAAGTCACCGAGCCTCTACTTCAAGAAGTTTTTCAAGTATTGGACCCATAGAAGGTTGTAAGCTCATCAGGA  
AGGAGAAGTCATCCTATGGTTTTGTGGATTACTTCGATCTTGCTTCCTATGAACGGCAAATGGCATTAGCAAA  
ATGGGTGCGGCACAAGCGCTAATGCATCCACAGGCGGCTCAGCATGCCCTCAAGCAGGCAGCCATGGGAATG  
GGGATGGGAATTGGGATGGGTGGTGCGGGCACAAGTCAAATATATGATGGTGGGTTCCAAAATATTGCA  
ACCACCCAACAGCTCATGTATTACTAGGTATTTGAACTGCTGTAGTGTATGATGCTTTAGTTTATTGTGGAAGT  
AAAAAATAGTGTTACATGTTTTGGGGATTGTGACCCAAGTACGATCTTGAACCTGCTGCGTTTGCCAATGTA  
GTGGTTAGCCCGGGGGAGAAGGTGTTGCAGAGTGATTTAATTTGTTTACTTGTAATGGTTTAGTTTGTAGTA



TCCTGCAAGAAAAAATATATGGTGAGACGTCTGGAAATAAGTTCCAAGCCTTGATCTTGATGGACTTATTTT  
TTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3795 Novel Gene

AATTACAAACCATTTCTATAAATAATAATATTCTAAATTTCCACTCTTTTCTTCCCCCTTCTCCATTGTTGCCAT  
TGCCCCATTACTTCATATCCATAGAAGAACCCAAGGTAGGAGAAGGAGAAGAAGAAGAGAGGGGAGGAAA  
AAGGTGAGCTCGTGAATCCTCGAACAGGGCATTTCGATTTTCAGGAGGGCACGAGAGAGGTGACCCGTGATG  
TTGTTCAATTCAAGAAGCGGTTCTCTGATCTTTTCTTCTGGAATCGGATTCTGGTGCTCTGTGGATCCGGTTTGG  
CTTTCTGGGTTTGCTTTATATTCGTTGCCCTGTACATGGGTTTATAATAGAGCATTGGTTGCCTTGAAATCCGTA  
TCAAGCCTAAGCTTACGACTGCAGTAGGTAGTATACCGATCCGAGGCTTCTGGTAACATATTTTGGAAATCTTG  
AGCACACTACATATGGACAACATTGCTAACCAAGTCACAGGGAGGCGATTTCATCAATTAACACCAATCAATCAC  
AGGGGAACTCCAGTGAATCTAATGTTCCAATCCATTTGTAAATCATGGTCTTCTTCTCTGGAATCAAAATAGG  
CAGCATTGGGCGCAGAACAGGAAGTCTGGCAACAGAAAAACAAGTGATTGAGAACCCAAATTACACACTCAT  
TGTCTCTGCATGCCTAAATCGTTCTGGCTTTGCAGTTGGAGTGCACATACGACAGTTTGTGGGAAATAACAA  
GCCGTTCCACAGCCTATACCACTTGGTGAAATGGTTGATTTTCTTGTGGATATATGGGAGCAAGAGGGGTTG  
TATGATTGATTGAGCATCATTTCTGGAATGAA

>trans\_c\_3796 AY830931|Pisum sativum FVE (FVE) mRNA, complete cds

ACTGCAAACCTCAATTCTTCAAGCCTACGGTGGGGTCTCCTTAAGCCGAAGAGAGAGACCCAAAATCGCTGAC  
TCAACCTCCACTCCAGTGAGCCATGGACTCTTCTCAGCCGCAGCAACAACAACAACAACCAACACCTCAAC  
AGCAGCAGACACCGCCGCCGCCGAGCAGCAGACACCTGTTGTGAAGAAGAAGGAAACCAGAGGCCGTAAA  
CCCAAGCCGAAGGACGAGAAAAAGGACGAACAACAACCTAAGAAGATGAAAGCTCAACAACAACCTTCCGTT  
GATGAGCGTTATACTCAGTGGAAGTCTCTTGTTCCTGTTCTCTATGACTGGTTTGCTAACCATATCTCGTTTGG  
CCTTCTCTCTCTTGCCGGTGGGGTCTCAGCTTGAGCAAGCTACGTATAAGAATCGACAGCGACTTTATCTTTC  
TGAACAGACTGATGGCAGTGTTCCAAATACACTGGTTATTGCAAAATTGTGAAGTTGTGAAGCCTAGAGTTGCA  
GCTGCAGAGCACATTTCTCAGTTCAATGAAGAAGCACGCTCACCATTGTGAAGAAGTACAAGACTATCATAC  
ACCCTGGTGAGTTAACAGAATTAGGGAACCTCCCCAGAATTCTCGAATTGTTGCCACACACACTGATAGTCC  
AGATGTCCTCATATGGGATGTTGAGGCACAACCTAACCGTCATGCTGTCCTTGGCGCCACAAATTCTCGCCCA  
GATTTGATCCTGACTGGTCATCAAGAAAATGCCGAGTTTGTCTAGCAATGTGCCCCACTGAACCTTATGTTCT  
CTCTGGGAGGGAAGGACAAATTAGTCGTTTTATGGAG

>trans\_c\_3797 Novel Gene

AATCTTAGTTTTAGTTTGCAGAATTTCCAACAACCTCTCAAACACCAGCATCGTCGTTATCCGCAAACCTCCGCC  
AAACAGCCTCACCAAAACGCAAACTACTCCTCCACGGCCCTCTCATCTCCACCATCGCCTCCCAGCCATTCCGA  
CTTCCGACCTCCATCTTACGAGTCCAATCCTCGCCATGCTTCCACAGTCTAGAGATTAGAACACCTTGCTTAAG  
ATATACTTCGATTTTACTCTGTTCTAACCTTCAATGGACGAAATTCGTCGTAATCGTGTGCAATTTCAACGAA  
CTTTCCTTCTCAACTACTGGCGAAGTAAGAAATTCGAAGGTGCGGCTTAATCCGATGCCTTCGTTCCGCGCTTT  
CCTCAACAGCCCCGTTGGCCCTAAAACAACGCATTTTGGGGACCTGTTGCTAACTTTGGTCTCGTTGCTGCTG  
GGCTTGCAAGTGTAAAAAACCTGCTGATATGATTTCTGGGAGAATGACGGCAGTTTTGTGCGTCTATTGCTT  
GTTATGCATGAGATTTGGGTATATGGTTTCGACCTCGAACTATTTGCTGACGGGATGTCATGCTGCGAATGAA  
TCTGTTGAGCTCTATCTTCTCTCGTTGGGCGATGGGCCAGAGGAAGACTGTAGATTACAGCAACGAGTAGC  
TTCAATGGCGATGGTATGGATATATGATGATGCTATCGATGCTGCTTGAATCCCTGTTGATACTTGCTTTTGG  
GATTTGATTTATTAATTAAGATCACACACACACAACCTACTTGATGACTTCAATGTCCTAATTTCCCTTTGCTT  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3798 NM\_120719|Arabidopsis thaliana ribosomal protein S8e family protein (AT5G06360)  
mRNA, complete cds

TCCTCTTTCCGAACAGCGCTCTTTGATCGGAGCTCTCGTTTCTGTCATCTAGGGTTTAACTTCTACAGACAATTC  
GGCCTGCGATTGTAGACTTTGCGCATGCCGCAGGGAGATTACATTGAGCTTCACAGGAAGCGACATGGCTACC  
GCCATGATCACTTTGAGCGGAAACGCAAGAAGGAGGCTCGTGAAGTGCACAAAAGATCTGCTACAGCTCAGA  
AGGCACTGGGTATCAAGGGCAAGATGTTGCGGAAGAAACGCTATGCGGAGAAGGCTCTGATGAAGAAAACA  
TTGGCCATGCATGACGAGTCTTCAAGTAGACGCAAGGTTGATGATGATGTTTCATGAAGGTGCTGTTCTGCAT  
ACCTATTGGATCGTGA AAAATACAGCTCGGGCCAAAATTTCTAGCAACACCGTTAAGCAAAAGAGGAAAGAAA  
AAGCTGGAAAATGGGAAGTTCCCTGCCCCAAGGTCAGACCCGTTGCCGAGGATGAAATGTTTAAAGTGATAA  
GAACTGGTAAAAGAAAAACAAAGCAATGGAAGAGGATGGTCACAAAAGCTACATTTGTTGGGGCGGGTTTTTA  
CAAGAAAACCTCCCAAGTACGAGCGGTTTCATCAGACCATCAGGTCTTCGATTACAAAAGCACATGTCACACA  
TCCTGAACCTAAATGTACTTTCAATCTTGAGATCATCGGAGTGAAGAAAAATCCGAATGGTCCAATGTATACCT  
CTCTTGGTGTCACTAACTAAGGGATCTATTATTGAGGTGAATGTCAGCGAACTAGGTTTGGTCACACCAGCTGG  
GAAAGTAGTATGGGGGAAGTATGCTNCAGTGACCAATAATCC

>trans\_c\_3799 AL161572|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 68

TGAACCAATACCAATTCCAATTCCATTA AAAATTTTACCTTTTCCCGTACCCTAAATTACCTGTCCATATCCATCT  
CTACCATGGTGGTTCCTCTTGCCCCGGAAGTTCTACGGCAGCAGTCTTCCTCGTCCCCGCTACTACACCGAC  
GTCAAGCTCAATGATGAACGTGTCGATCCACCGACTCCAGTTCTCGATCCACTCCTTTCGTGGGCTAACGAGGC  
TCATTGGTCAATGGGTGGTCTTAGCTTCAATCGCCTCAGGCTTCAAGGTCGGATCGAAGGCAATGTCCACAAA  
CTTCGAGTCGAGCGCGAGAAGGTTGCCAAGAAGAAGCTTAAAGCCGAAAACTCGACTCTGCGCCAAAGAGA  
TCTGACCCAGATGCCGGAGCCGATGCCCATCGCCAATTGAAGAAGGCGAGATCTGTAACCTCCACCACCGGCA  
CCGGTTGCAACCAAGAGACGGCGATTGATGGTTCTGTTTGAAGATGAGGACGATGTAGGCATGGACAAGGA  
AGAAATTGGGGTTGTGAAGAGGAGATTGGTGAAGAACTGGGAGATGATTTTGATCGGGTGGCTGCAGAGA  
GTAAGAGGAATCAATTGAAGGGTTTGAAGGACAGAACTCAAAGATCAATGAGGTTAATGAATCTGTAATGA  
AGATCGTCGAGGAGATTAACAATGAAAATACTAAAGTAAAAGAGATCAACATTGAAAAAAGGGGAAAAC  
GTTGGAAAAGTCGAGTCTGTATCTGTTTCTGGGACAAGAACTTCTCCAGAATGGCTAATAAGCGTGCTTAAA  
TTGATTTTCAGTATTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3800 AY080699|Arabidopsis thaliana At5g56900 mRNA sequence

GTGAGAATTTCTACTGTGCACTGGCCAAAGGTCCTCTTGTTCCGGACCACATACTGGTAATACCTGTAGAGCAC  
TTTCAAACACCCTTTCTCTAGGCCAGATTATGAACTGAAATCAACAGACTCCAAAATTGTCTCGGGAAGTA  
TTTCAAGAGTCAAGGGAAGGAAGTTGTTTTCTTTGAGTGGGTTTCAAAGCGTAGCACTCATGCTAATCTTCAG  
GCTGTTCTATCCCAACATCTAGAGCTCATGTTGTTCAGAACATATTTGATATGGCTGCCGAAAAGCTGGGCTT  
TAAGTTCGTGATCTCTAAATCAGCAGACGCGCCTAGTGAAGGAAGAAAATTATTGAGGACACAGTTCGATAGT  
GATCACAGTTTCTTCTATGCCGAACCTTCTGAATATGTAACCTTATCACATGTTATTGAGGAAAATGAGATATT  
CCAGCCCAATTTGGACGCGAGGTTCTAGCAGGCTTGCTTAACATGGCAGATAAAGCTGATTGGAGGAATTGC  
GCCCATTCTAAAGAAGAAGAAACAAAGATGGCTGAAGATTTCAAGATAAGATTTGAAAATTTTGATCCTAATA  
AGTGAGTTCTTAGTTGTATTTGGGAAATTCCTGTCACTGCCCTCATTCTTCTAGCGACTCAAGATGCACCTCCC  
AAGGCTGTTATATTATCTCAAGGATATCATGCAGAAAGGTATACATTGAGTAAATTATTTGGATATTTGAACCTT  
TTTCTTCTCTAGAGCGTAACAAACAACAGATGAAGATGATACGATAATGTCCTTTACCTGATAGCCAAAGAT  
CTGTCACGCCAGGTGTTTCTGGATGCATTGG

>trans\_c\_3801 NM\_001055357|Oryza sativa Japonica Group Os03g0126000 (Os03g0126000)  
mRNA, complete cds

AATCCGGCAAGAGTCCCCTTCGCCGTTGTTGGCGTATATTCTGAGAACTTGGTCTCCAAAATGGCTAACGCACT  
GCAACTATTTGGCATGAAAAGAGCATTAGTAGTCCACTCTGAGGGTTTGGATGAGATGAGTCCCCTTGGACCA  
GGACATATTCTTGATGTAAAACCTGGAAAGATTGAGAAGTTTTCATTTGATCCACTGGATTTTGGCATCCCTCG  
CTGCACCATAGACGACCTTCGAGGTGGAGACCCTGATTATAACGCAGAGGTGTTGAAGCGTGTGCTATCTGG  
GGAAAAGGGGCATATTGCAAAATGCACTTATCCTGAATGCTGCTGCTTCCCTTCTAGTTAGCTGCAAAGTAAAC  
ACCTTAGCCGAAGGAATCGAGGTGGCTCGTGAAACTCAACAGTCTGAAAAAGCCATGAAAACCTTGATTTGT  
GGATCAAACCTCTCCAATAAGCTATAAGAAGTATATGCATAGAAGCACTTAAAAATTGAGCTGCTGAGTAAAGA  
TTACGAAGAGTTGGAGCTTGTTTTCTTTGAATGTCAGACAAGTTGTTTCAAAGAAGATAATCCGGCTTTTATCA  
GCTGCATCCTACAGCTTGAGTTGACTATCTTTTTATGATCAAATCAAATAGTTAACTATTTAAATAAAATATAAT  
TCTTTTTTGTTTTTTCTCTTAATAAGGTGCAGTTGAGGGCCAGAGAATTTGAAAGAAAATTTAAATCAACTG  
GGGCTTAACATTGGAAAGCTGAATCATATAACCTCCATGGTGGAGTATGTAATTGTAGACAATCCTTGTCGTA  
ATGTTGCTAATAAAGCTGTGGAAGGTTTATGTTT

>trans\_c\_3802 NM\_001061952|Oryza sativa Japonica Group Os05g0385400 (Os05g0385400)  
mRNA, complete cds

CTTCATATCTCAATTTCCCTCTCTCTTTCTTTATTTCTCTCCACTTTTCGAATGGGCAATGCAGTCTCTCCATG  
TCTTATCTCCATTTCCATCTCCCTCCGCCGCCATCGTCCCTCCGCCGTGAAGCTCGTCTTACCGATGGCCCCAC  
CAAATTCCTCGTCGGTAACCACTTCGCCGGTGAGATTATGTTCCAATTTCTGACATGATGGTCTGCCATG  
CCGAATCCTTCTTCATCGGTCAACCAATCCCATCTCTATCCATCGACGACGAGCTTCTTGTTGGCGAAACCTACT  
TGTTTCTCCCATCGACCGGTTTGCTCCGTCGATGTTCTCTCTACCTCGTCTCTCGCTATGATTGGTGCAGGTA  
ACATGTGCGGCGAGAAATCTCCGGTCCGTGCCCGTTCGAGTACGTACGAGGCACAAATGGGAGAGTTTTGA  
TTAAGGTGATGCCGGAGTTTATTGTTAGGTTGATATCTCCGGCAGCCATGGACGGCGGAGAAAGCGGCGGAG  
GAGGTGGTGGGTTTCTTTGTAGTACGCCGGAGTTGAAGAAACATTACGATCAACTTGTTGGATCAACGAAAG  
GGCAAGTTTGGTCGCCGAAATTGGAGACTATATCGGAGTATAAAATTAGGTATTCGCCTTGATGATTTGTAGG  
GTTTAACTTAAACAAAAAGAAAGCTAAATAAGTCATTTCTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTT  
TTTGGTGAATTGTACAAAAGGATAGCGAAATTTGAGTAATATTATTAACCTTATTCTTAAAAAAAAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3803 AC068809|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T16G12 From  
Chromosome V, complete sequence

AGCTCTGATTTAGTAGAGATATTTGGACAGGGCGGTGGACTCGTCACGGTCAAAATGACCAATGCGAGATC  
AGCGATGACGGCCGCTACCGGTGTTTCGCCCCAGATTATCCTTGTCAAAGCCCTTGGTGTAAATGGCCCATTAG  
GGTTGTTGGAGAGTAATGGATGGGTTTATTCTGCTCATTGTTTCATCTCAAATGTTTTCTAGTACTTCTGCTTGG  
GATTGCTGGAAGGGTACACGGATTTTCTTTGGGGCGATTGCAATCATGTCGATACGATAAGAAACCTTCTCA  
ATTCGTGTTGGATTTGCCTGAAATCCCTGCAGTTCCGAGGGCGATTGATAGGAATTTTTCGAACCCGAAGAAT  
CCTTCTCAAACGGTTCGATTACCAGCATATTCAATGGGCATTGGAATGAAACACAAACTATGAAGGTTTGA  
ATTCATTGAGAAATGAAGGGTTTAGAAGTCTGCTGCAGAAATACTTCTCAGAAGAAACCGTTCCCGACACAAT  
CATCATGAACTCGGGCCTCCACGATGGTGTTTATTGGTTAAATATCCGAGCTTTCTCCGTCGGAGCAACCTATG  
CTGCATCTTTCTGGAACAAGTTTTGGAATCCATTAAGCAGAGGGGTTTAAACAGTCCCAAAGGTGTTCTACCG  
AACCACGGTCGCAACCGGTGGCTACGCTCGAACGCTTGCCTTCAATCCCAACAAAATGGAAATATTCAACTGG  
GTAGTGCTGGAGAAAGTGAAGGAAGCTGGGATCATCCATGGCGTGATCGACAACCTTCGACATGACATTCCTT  
TGGCATTTTCANCATCGGTGCAACGATGGAGTCCATTA

>trans\_c\_3804 NM\_148206|Arabidopsis thaliana catalytic/ protein serine/threonine phosphatase (AT4G03415) mRNA, complete cds

ATCCGACTCATCAATTGTGAAAAAAAAAATCGGCCATTTGACCTAGAATAGAACCAAAACCACACAACCAATT  
TTGGCTTTTCCTCAAATTTCCCTCCTTTCTCATTGGGGCTTTTACTCACTACTTTCTACTACTTTCTTCATACAGTT  
GTTAAAGCCTCCTCTTTTCTTGTTCCCTTTTGCCATTTGTGCAATATTGCTCAATGGGTATGTTTTTATTTGGTTGA  
ATTTTGGTGTTCCTCAGATTTTGGTTCCATTATTTTCAGGTAAGAACGACAAATAGTCTCTACATGCATTTCTCT  
TCCCTTTTTTATGTATCTGTCTGAGTGAGAGTATGTAGAAGAAGTTTGAAGTCCACTTCAAGCATCAAAGTATGAT  
TGTGAGACGGAGTGAACCAGAAGAGCTGGTATCCGTCATCCACTCATCCTCCAATGAAAGGATTGAAGTTTGA  
CTGAAAAAAAAAACATCCAAATTCTTAACATATTAAGATGATGATGCATTTCTGAAGCCAAGAAAGTAAATGG  
GTGGGTGTGTCTCTACAAGCAGCCATAGTACATGTAGTAGCCAAAGCAATGGGGAATCAGTTTCTTCTTCATG  
CATGGGAATTGGATTTGTATGTGAAAGCGAACAAAGAGAACATTCTCCGACCATGTTTATGCTCTTCAGAAT  
CTTCCTCAGCTCCTAACAGGATCTTCATGAATGGAAAAAGTCGTTCTTCTTGCAATTTTCACTCAACAAGGTCGC  
AAGGGGATAAACCAGGATGCCATGGTTGTGTGGGAAGATTTCATGTCAGAGGACACAATCTTTGTGGTGTG  
TTTGATGGACATGGACCTTATGGTCAT

>trans\_c\_3805 AF483267|Populus tremula x Populus tremuloides glutaredoxin mRNA, complete cds

AAAAGTACACTCACGAAGCGATTAATTGCCGAAGCCGAACGCATAACCTGACCGGTAAAAGTTTAGTTGTTGT  
CCGGAATTTGGATCAATGGCGGCGACGGTGAGTATGAGGAAGATTTTGACGGCATCAGCAGCTATGGTCTGC  
GCCGTAGCCATAGCGTCTCTATGCAGGGCCTCATCTTCCCAGAATCATTATCAAGAACACCATCGCCTCTCA  
TCAGATCGTCATTTTCTAAGTCCTATTGCCCGTATTGTAGAAGGGCAAAGCTGTTTTCAAGGAATTGAACA  
AAGTTCCTCATGTTGTTGAGCTGGATCAAAGAGATGATGGCAGTGCCCTTCAAATGCTCTAAGTGTACTCTTT  
GGAAGGCGGACTGTACCTCAAGTGTTTCATAGATGGAAAACACATTGGTGGATCAGATGATACTGTGCAAGCA  
TATGAGAGTGGGGAGTTGAGTAACTCCTAGGCATCAAGGAAGACCACAAAGCCGATCTTTGAAGTCAAAGT  
TTCAAATTGTTAGCAGATATCTTTACACCAACAGAGTATGTTTTGCTTGGATTAGTTGTTCAATTTTAACTCTTA  
ATAGTGGAGGATAAATTGTCTCTGACATAGGGGGGTATCAAACCAGTGATAACTTTGCTTTTAAATGTAAGGGG  
ATTTTCGAACACTAATCAATAGATTGAACCATTTTTGCCCCCTCTAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
GTCCTTCCATTTTGATACCTTTTTTCTTCTACTTGCCCTAAAAGTCCTTTCTTTGAACGACTCTTGATATGAAT  
GTTCCAAAATTTGTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3806 Novel Gene

GTTTTGTTCTGGCGTAAAACGTTCTCACGTTCTGACTCTACTGTTTTCCCTCAATCCGTTCACTTTCCTCCTCTT  
CGCTTCTTTTCCGTTCACTCTACTGGATCTGACTTCCCTCACTCATCGCTCACTATCCTCCTTCGATTCCCTCC  
TGATCGACGACAAGAATCGCGCATAACCAATCGACTCTCTAACCTCAATTCTGATCAAACCCAGATGGGGTTT  
TTCATCACTCTTTTAAAATTGTGAAGTGGGAAGAAAAGGGGTTCTATTTGGGTGTTGAAAGTATTCGATTGTC  
GTAACAAGTTAAGTTTGTGTAGTACTGTTCTGCTTTCCCGAATTTGATGCTTTTGCTTGTTCATTCAAGAGTG  
CCTAAATTTGGGCTATACTAGCATGGAACCAGAAAATGGATCAAAGCGAAGGAGGAAGCTTTGATGGAGG  
TTTCAAGGTGCGTGGAAGACGGAATGCCACTCGAGATAAGCAGAATGCAAGTAGTGGTCAGGAAAACATTC  
GTGACATAGAAGCTTCATCCTTTGAACGAAGTATGATGTTAGATAGAAGTGAGGATATGGAGGTTGATATTAT  
TGGGTGCTCGGAAAATTGTGAGGGAGGTCCTAGTAATGAATGCAATGTTTTAACTGAAAATTCAAGCTCATTT  
GGAGATACCGTATCTGGGACAGATTATGGTTTGTATTGGATGATGAAGAAGTCAATCCCAATTATACGGTCA  
TAATAATTTGCAGTCTAATTCTAATGGATACGGCGAAGTATTTCCAAGTCAACAGGATTCTCAAATCACACACG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3807 AJ580823|Lotus corniculatus var. japonicus ORF1, ORF2, ORF3 and genes for vacuolar proton-ATPase subunit-like protein, papain-like cysteine proteinase-like protein 1 and papain-like cysteine proteinase-like protein 2

AATGGCCTCTGTTTCTTTCTCATGTCTCTTCTCTCAACCCACCATTTCTTCTTCAAAACATTCCCTCCTCATCT  
CCCGAATCTCCGACAAGCCATTTCCCTCCAAATCTTTGAAGTTCTCATTATCCCCAAACCCACCAAATCCTGAAA  
CTCCTCCACCCAATTACCTGAAACTCTCTCTGATGCTGCACCGCCTCCTCTCGACCCTGTCAAGCTCGCATTGCG  
AGCGAGCCAAGGCCTACAAGAAATTGTCAAAATCGGGCTCCAATTTGAATGTTGAGCTCAAAACCGGCGTTG  
GTTCTGAAGGCAACTCTGTCCAACTGGTAAATTAAGTTTCGATGGGGCTGACGAGCAGAGAAAAATGCAGG  
GTGGGCTTAAAATTACGGTAGAAGGTGCTACTGAAGTGAAGGGGGAAGCGAAAGTTGTAAGTATGAGGACG  
AAGGGTGGGGAAATCAACACCAACGAAGGATTGAAAGACAGAGAACGGGAAAATTTGGGAAACAAACAAA  
AGGGTGATAAAAAGGGAGAGCTTTCTATCTCAAGCATTGATTTTATTGGGCTTGGCTTTCGCGATAAGAGAAA  
GACCAGGGGATTACCAGCTGGATTGGTTCCAATTTAGACCCCTTTTCTGTAGAAGACTTGCCTGAAGTGAA  
ATAATTGTAGGTGATTGAGCAAGTTTGACGATGCGACAGCATCCAAAATTAAACCAACGCAGGAGGATGAT  
TCTGATCTTTACAAACCAAGGTTTCTACATGGGGTGTCTTTCCAGACCTGACAACATTTCTAAGACGTTTGG  
GAGGTGGAAGAACTATACGCCCTGGAGATGTGCTTGAA

>trans\_c\_3808 AF465780|Lycopersicon esculentum lecithine cholesterol acyltransferase-like protein mRNA, complete cds

AAGATTTCACTCTTTTCGCTTCAAACATCCCCAAATCCTTATCCCATCCTCTTTCTTCTCCTCTCCCTCTTCTCT  
TCCAATATTGCGCTTTTCGTTGACCGGATTTCTCCCCTCCGATCCTCCTTCTTTGGCCTCCACTTTACCTAGGCA  
GGGAGCTTTAACTGCCATGGCTCTGCTATTGGAGGAGATTGTAAAGTCCGTTGAGTTGTGGTTGAAGCTTATC  
AAGAAGCCTGACCCCTTCGTCGATCCCAATCTCGATCCTGTTCTTTTAGTGCCGGGGGTTGCTGGTTCCATCTT  
GAATGCGGTTAATGATGATACCGGCAAAGAGGAGCGAGTTGGGTCAGGATATTGCGAGCTGATTCTAAATT  
GCGAACCGAGTTATGGTCTTTTACGATCCCACTTCTGGTAAGTCTGTATGTTTTGATCCCAAGATCAAAATTA  
GAGTTCCGGATGAGAGAGATGGATTGTATGCGATAGATACTTTGGACCCTGACATGATCATTGGATGCGATTG  
TATTTACTATTTCCATGACATGATTGTTGAAATGACCAAGTGGGGTTTTCAAGAAGGAAAAACACTTTTTGGAT  
TTGGATATGATTTTCGCCAAAGTAACAGGTTGCCAGAAACATTGGATCTCTTAGCTGCAAACTGGAGGCAGT  
ATATACTGCTTCGGGAGGAAAAAGATTAATGTCATAAGTCATTGATGGGCGGTCTTTTGTGAAATGCTTC  
ATGGGCTTGCGCAGCAAAATTTTGAAGATATGTGAAGAAATTGGATTGCATTGCTGCACCATTTAGGGTG  
CACCTGGATATTTTACATCAACCTTTGTGA

>trans\_c\_3809 AL161587|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 83

AGAATAGAAATCAGTTTTCTAAATTTGGTCCTTCAAATCTTTATTTTATAATTAATCTTTATGGTTGATTTTGAA  
AATAAAAAAAAAACCTTAGGTTTCAAACCTATTTAAATATTAGATTATATTTATTCTTCTATTGAAAATGTAT  
AGACTAAAATGGGATGATAAACTTTACAAAAAGTCAAAAGTGAGGTGTGAATATCTAAACCTAATTTGGTGAT  
TGTACCTGTAATTCGTTACGTTCTTGTAGCTTGCTTTCTGTCATTTTTCGACATTTGTATCCTGTTTGTGTT  
GTAGGCAAATAAAACAAATGGGATCAGTGGCGTTGTAACCTCATGCAAACTTATCAAAATTACTCCTAATCAC  
GCAATAGTTTCTCAATCGCTAGATCAATATACTCCAATCTCATTTTTCGATTTTATTTCCATTCTTCAGGTTG  
GGAAATCAAAGCCACTGTATGGTGGGTGGCAGCCAATTTATACTTACACCAGCCGATGAAAACCCGTAATCTCT  
TCTTGATTTGATCAACTGCACCTGCTGCCTTGTTATCTCTGCTGCATTCCAATCAGCTTGCTCTTCTTGGCTGA  
GTTTTTCTTCATCTGTTTTAATTTTCTGAATTTTTTTTATTTGTATGAAGTCACAATCAGCGGTGGTTCCAAGTC  
TCATTGTGAATAAACTTCTCTATTTTACATTGTACAGCGGGCAGCCTACGTAAATTTAGGCTTCGTATTTGA  
AAGATATAATACTACACTCGTCTTCATTTTGAGAAGGCCCAAGTTGGTAAAAAGAACAGAACCTTAAAAACAA  
TTTGCATCAAGAAGAGATT

>trans\_c\_3810 NM\_121895|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family protein (AT5G18900) mRNA, complete cds

AAAATTTTGTGAAGAAAAAGAAAAATTTTATTGCATTTTCTTCTTCTTCATTTCTTCTTTCTTTTGGTC  
CGATTCAAGTTCATGGCTGAATTTCTCCGTTTCAATCTACTTTTCTTTTACATTAACCATTTCTACCTTCTCCG  
GCGAGCTTCAGCCTCCTATGCAGGTTCCGCTAGCTCAATCGTCAACCCTGCAAAAGTCAAACAGATTTCTGGT  
CTCCTCGGGCTTTTGTGTAGGAAGGTTTTCTCACGGATTTAGAATGCGATCATCTCATTTCCCTTGCTAAAGCG  
GAGCTGAAGAGATCCTCTGTTGCGGATAATTTGTCCGGAGAGAGCAAAGTCAGCGAGGTCCGAAGTAGCTCT  
GGGGCGTTTATTCATAAAGCCAAGGATCCTATTGTTTCTGGTATAGAAGACAAAATTGCAGCATGGACATTTT  
TGCCAAAAGAAAATGGAGAAGACATTCAAGTATTGAGATATGAATATGGGCAGAAGTACGATGCTCACTTTG  
ATTACTTTGCTGACAAGGTTAACATTGCCCCGAGGTGGACATCGAATGGCAACCGTTCTCATGTATCTTCCGAC  
GTGGAAAAAGGCGGTGAACTGTGTTTCTTCTGCAGAGGAATCTCAAAGACGTGAGGCTTCCGAAACAAAC  
CAAGATCTCTCAGATTGTGCAAAGAAAGGCATAGCAGTAAACCTCGGAAAGGCGATGCTCTTCTTCTTCA  
GCCTCCATCCAAATGCTATTCCAGACACAAGTAGTCTACATGGTGGGTGCCCTGTGATTGAAGGTGAGAAATG  
GTCAGCAACAAAGTGATTTCATGTTGATTCC

>trans\_c\_3811 AB061244|Solanum tuberosum mRNA for ring H2 zinc finger, partial cds

CCAACCCACTGACTCCGTCCACCGAGCTGACGATTCCAACGCTGTCGTTAACTCCGATACCGACGGAGGTGAT  
ATTGAAGCTCAGTCCAACGACGTCGTTTTCAGAGACGACGGCTCCACCTACGGTTCAGATACAAACGGAATCAG  
AGCTCAGTACGACGACAAGTAACAAGTCGTTGAATCGGACACGTACACGGGGATCCCGATCCAATAGATTGC  
GGTGGCTATTTCCCCGGCCTCACTCCACCGGCCACTCCTTGTTTACGCTGGGGAAGACACTGAGCGGTTTAC  
TCTCCGTTGCCAGTGGAGATAAGGAAACAAGTGGTGAACCGGAAGCTGCACCGGGCGACTAGTATGGTGG  
TTCTGGCGAGGCAGAGCAGTTTCGATGAGAGGATACCGATTTGGTTCAGGTGAAGGGAGTAGTCGAGGGAAG  
TATTACCGGAGGCTTGAGCGGTTGGACAGAACATCGAAGTCGGACCGGTGGGTGTTGTCAATGACACCGCCG  
TTTTTACGCGTATGTCGTCGATGAAGACTCCGCGTGGAGGGAGTAACCGTGCTGAACCCGGTTCGGGGCCGA  
GAACTTGACAGGGGAATACCGCGGGCGATTCAAGTAGCCTTCCGGTCTGAAGTAATTTATTTTATTTTATTC  
TTATATGATTTTTTGGCCACATTATATAAAAATTTAAATTAATCGTGAATTTCCCAAGGGGAAATTTCTTTTG  
TTTCATAAAATTTTATATATATCACAAGTAATGTGTACATAAATTCTTGTTTATTATTCTTTCTATAACTATAGAT  
GTTGGTTCTTAGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3812 NM\_125799|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related (AT5G64030) mRNA, complete cds

CTGGCATGGGAATCGACTGGTCAACTGTGCGAAATGTCATGGACATGAGAGCTGTCTATGGAGGATTTGCTG  
CTGCATTGAAAAATTTGAAAGTATGGGTTATGAACGTTGTCTCAATAGACTCTGCTGATACTCTCCCAATTATC  
TTCGAACGAGGTTTATTCGGCATATATCACGACTGGTGCGAATCCTTCAACACCTACCCGAGGTCATACGACCT  
TCTTCATGCAGATCATCTTTTCTCCAAGGTCAAACAAGGTGCAATATAGCCGCTTTAGTTGCAGAGACCGACC  
GAATCCTCCGACCAGAAGGGAAACTCATAGTTTCGGGACAATTCGGAAACAGTAAACGAGCTCGAAAGCATGT  
TCAAGTCAATGAAATGGGAGGTTTCGGTTTACTTACTTCAAAGACAATGAAGCATTGCTGTGTGTTTCAGAAATC  
AATGTGGCGACCAAATGAATCGGAAACACTCCAATATGCAATTGCTTAGAGGAGGCCATGGGTGTGTGTTCTTC  
ATTATCACCATCTTCTCCAGTTCCTCACTTTACTGGTTGGCAGCAAAGAAGGGGAAAGGTTAGGTCAAATTCTT  
TTTTGTTATTCAAAGTTTCGATTATATTATGGCAATGGTTACTTCTAATTAGGCAGTGTAATTCATCTCATCTCA  
TCGAGAGGCCTTTGAGAGTAATTCATTTTTCTTCTACTCACTCACTCCACCTTTGCAACCTATTCCTTCTTCAAAG  
GCTTTTGTTCATTTTCTTGTACTCTATGATACTCAAATAGTTATTAATGAAAAATCGTATACATTCTTGCATGT  
AGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

CTCTTTCTCTCCCAGCCATTCTTCTTCTCTCTAAGACAACCCATTCTCCACCTTCCGCCATGTTCTGTTTCTTCAC  
TCTCAAAACCTAACCAGAACCTCCGTTGAAGACGATTCTGGAAGCTGATTGAGATTCACTGAGAAGCTGTTGT  
TATTGTTATTGTTGGGTTGTGAATTTAGGGTTTCGAGGTGTAATTGGGCGGAATTGACGATGCTTTGAGAA  
TAAAAGCAGTGGTGGATAAATTCGTGGAGGAGCTCAAGGAAGCCTTGATGCAGATATTCAAGATCGAATCA  
TGAAGGAGAGAGAGATGCAGAGTTACATTGAAGAGCGTGAACGTGAAGTTGCTGAACGTGAAGCTGCTTGG  
AAAGCTGAGCTCTCTCGTCGTGAGGCAGAGATTGCAAGACAAGAAGCAAGGTTGAAGATGGAAAAGGAAAA  
TCTGGAAAAAGAGAAAAAGTGTGCTAATGGGAAGTGCATCAAATCAAGACAACCAAGATGGAGCTCTTGAAAT  
TACTGTAAGTGGTGAAAAGTATAGATGTCTTAGGTTTGCAAAGGCTAAAAAATGAGGCTGACATAATGATAT  
GATAGTGAAAAAGGAAGAGAAAAAAGGTAGTGTCTTGATTGTGGCCTCTTCTTCTCTTAAGCTTGTTATAA  
TTTTTTTTTCAAAGCAAATCATTATTAGTTTTGAAAGCTTCTAAGATGTACATGTAGATAATTATTTGCTACATC  
ATCATGATTGTAGCAGTATTTATTAATCATTCCATTCCATTTATCCAATGAATGAATAGATCTCCATCTCCCAA  
GAGAGTTCAAAAA

AGGAAAGCTTTAGAAAGAAAGCCAGGCCACTCACAAATCGTTTCTACTTCTCGTTTAAGTTTTTTTTTTTCCC  
CTTTCTCTTCTCTCTTCAACAACGTTTTCTCTTCAAACCTCTGTCTGTAGACTTATAGAGAAGAAGAAAA  
ATTATTA AAAAGTTCATTTGATTCTTCTCTGTTCATATTCCTTTCTTCCCAATGTAAGTATACCCCTTTTACTTT  
TTCCA CTTAAGAAATATTACCAGCGAATTAAAGCTGCGTTGGGGGTTTTTTTTTTTGGTTTCTTGGGATTGCT  
GTTTGGGTTTTCTTTGTTTTGTAACGTTGACGATTGTGGAAGATGAAAAACGAGGACCAACCAGGTCCCTCTT  
TGGGATTTTGCTCACTGATCGACCTAAATGGCAGCAGTTCCCATTTGTA CTTCTGGGTTTTCTTTGGCTACCT  
TGTTAATCGTGTTTGTGAGGAATATGTGTATAATCGTCTTAAATTCAGTTATGGATGGTACTTCACATTGGTGC  
AAGGATTTGTTTATCTCGCACTTATTTATCTCCAAGGTTTCACCACCAAGCAAATGGTTAACCCATGGAAGACA  
TATGTGAAGCTCTCAGCTGTTCTTATGGGATCTCATGGATTAACCAAGAGCTCCTTGGCTTTTCTGAATTATCCA  
GCACAAATTATGTTCAAATCTACCAAGGTTCTTCTGTTATGATAATGGGAGCCTTCATTCTGGCTTGAGAAG  
GAAATACCCTATTCATGAGTATATCTCTGCACTTCTTTTGGTGATTGGATTGATCCTCTTCACCTTAGCAGATGC  
ACAGACTTCTCCAAATTTT

AGCCGTCGCCGTCGCTCAAGAGAAGGGTTTCTCCACCAAAAGCTCCAATGGGTATCGATCTGGTAGCTGGAG  
GCAAGAGCAAGAAGACCAAAAGGACTGCCCCAAGTCCGATGATATCTACCTCAAGCTCCTCGTTAAGCTGTA  
CCGGTTTCTTGTTCTGAAGAACTGGAAGCAATTTCAATGCAGTGATCCTCAAGCGCTTGTTTCATGAGCAAGGTG  
AACAAGCCGCCAATTTCACTATCCAGACTTATCAAGTACATGAAGGGAAAGGAAGCGAAAATTGCTGTCGTTG  
TTGGAACCGTGACAGATGACATTCGCGTTTACGAAGTCCCAGCATTGAAAGTTACAGCCTTGAGGTTCACTGA  
GACCGCAAGAGCCAGGATTGAGAAGGCAGGTGGTGAGTGTTGACATTCGACCAGCTTGCTTGAGGGCTCC  
TCTTGCCAGAATACGGTTCCTTCTCGTGGACCAAAGAACTCTCGTGAGGCCGTGAAGCACTTCGGTCCTGCT  
CCTGGTGTGCCTCACAGCCACACGAAACCATACTGTGAGTCTGAAGGGAAGGAAGTTTCGAGAGAGCCAGAGG  
AAAGAGAAACAGCAGGGGATACCGAGTTTAATTTGTTCAACCCTTTTTGTGAGACAAAAATTCACGTTTTGCT  
AGACTTGAAGAAATATTATTATGTGAGACTCTATCATGTCTTAGTACAAGTTTTTCTTCTATATAAACCAAAAT  
CGGATCCGGTGATAGATATTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAATTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans c 3816 AY084047|Silene dioica Y4 protein gene, partial cds

AGGATGGTTCAATTTCTTAATGGAACCATCTTGAACTTCCTGAAAAGTTGAGGTCAGATGTTTTATTGCACCG  
TCCTAATGATACACTTCAAATGTCACACGAACTAACCAATTCATTCGCGATCGAGATGGGCATTCTCTCCCAT  
CCCCACATTGGGATTTGCCTCATAGGCAGCGACAGGGGATCACAAGAAGAAAAGTCTGGCAAAAGTAGGCTAC  
AAACTGTAAGTACGACGGGAGAACATGATGTTGAAGAGGAGGTCTCACCTCATGATGCCACTCACCAAAGTA  
CATTAAATGATCTAAGTATCAGGAACTCTTCTTGTACGACTTGATAGGCATCTTCACGCATGCAATTCCAA  
TTAAATGCCTCCTCACCGGCCTCCTCGAATGCAGCTTGGTAATGCTGCACAAGTTTTGCATTGAAGATTCATCT  
GTGACTGTTTTACAGCATTCACTAAAAATCGGGCTGGCAGATAAAAAACATTGAATGATACTGCACACCTCAGGC  
TTCTCTAATGAAAGCAATTCACCTCCCTACTGATCGATTCCAATGCCATAAGAGGATCTGTTATCACAAAATG  
GCCAAAGCTGCCATTTATATAATTTTTGGATTGAATTTTCTTTAATCCTTTTCTCGTGTCTTTTGCCTAGCG  
GGCTATATTCTGAATCTCTGTTGTAATCATTTTAGTATTTATGATAGATTCAACCCACACACCTCTCACAAAA  
TATGAAAAAGTGAAAGTTGCTGAATCAAGTGATTCTTTGATATGCACCATTTTATCATTGATCTTATATAATT  
GAGCTCTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3817 AF419590|Arabidopsis thaliana At1g09660/F21M12\_5 mRNA, complete cds

TAATACTCTCAACCAACCCCTTTCAAGTTTCAACCCACTACCCTTTATCTCTTTCCCCCAGATTCATCGCCTTCTT  
CCCTCTTTCTCCAAAGTTTATGCGTGATGGGGGAGAGAACCCACCTGGGAGTTACTTCCATTACCTCCCCCT  
TCTGCTCATGCATCCCCTCACAGGACTCCTTCATCCCTTTAGATCGGGAGAGGTGTCTAGCGGAATTACTGTC  
AGAGAGACAGAAGTTGGGTCCCTTCGTTCAAGTTTTACCTCATTGTAGCAGACTTCTGAATCAGGAGATCAGA  
CGTTTATCAGGCCTTAATCAAATCTGTGGATCATGAGAGATTGAGCATGGCAGTCTTACAGGTCACTAG  
GTCAGCTATCAAATGGAAGACCAATGGACATGGAAGTTGGCCTCCAATGCAAATGGAGGGAAAGTGGACAT  
GTCCATGGTATGGGTCCCTTCAAGCTCATTCAATGGGTTGGCCGAGGGTGCAAGGAATTCCTACTACTCAA  
TAGTTAAGAGAGTCGTTAGACTTGATGTACCTGTTGACAAATATCCAAATTATAATTTTGTGGACGACTTCTG  
GGACCGCGTGGAAGTCTTGAAGAGAGTTGAAGCCTTGACAGAATGTAGGGTGTACATAAGAGGCAAGGG  
ATCTATCAAGGATGCTTTAGAGGAAGAGAACTAAAGGACAAACCTGGCTATGAGCATCTTAATGAGCCCTTG  
CATCTGTTGGTTGAGGCAGAATTTCCAGAGGATACAATAAACGCACGCTTGGATCATGCAGTGGCAGTTTTAG  
AAAGTCTTAAACCCGTGGATGAATTGCTGGATCA

>trans\_c\_3818 X63537|P.sativum mRNA for thioredoxin F isoform

ATTTCTGAACCTTTTCCCAATCTCTCTCTCTCTCCATGGCTTTGCATTTCTCTCTCTCCCCGCCGTGCGTCAGA  
TCGTCGCCGTCGTTTCCCTGCAGTGGAAGGCAGCCGATCCCCGCACTTTCCGACTCGAAGAGTGGCTGCTTCA  
GTTTCGAGGAGCTTGAGTGTCTCTAGTAGCAGAAGCATTGGTGTTTCCGGTGGGAATCGGTCCTTCAAGGTCAA  
TTCAAGCTTGAGACTGCCGGCGCTACTGTTGGCAAAGTCACTGAGGTCAACAAGGACACTTTCTGGCCCCATT  
GTCAATGCCGCCGGTGATAAAACCGTTGTGCTCGACATGTACACCCAATGGTGTGGACCCTGCAAAGTGATG  
GCCCCCAAATTTCAAGACTTGCTGTGAGAAATATCTTGACGTTGTCTTTCTAAAGCTTGATTGCAACCAAGACAA  
TAAGCCATTGGCAAAGGAACCTGGGATAAAAGTGGTGCCAACCTTTCAAATTCTAAAAGATAAGAAGGTCGT  
TAAAGAAGTAACCGGAGCAAAGTTCGATGATTTGGTTCATGCCATTGATACTGTAAGATCCAGCTGAAAACCTC  
TCCTCTCTCTCTCTTTGTAAATTTAAATAATATGATGCAAGGAAGAGTATGCAGGGCAGTATTTAATTTACTC  
TATTAGTCTAATGATTTTGTGTACTGCTAAATGTTAAGGAAGAAGCAATTCGACCCTGGGAAATGATTCTGTAT  
ATAAAAAATATTTGGGACATAGACATTTGAATGTGTACAATGACAGTTTCTACACATTCCAAAAATTATTCCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3819 AY105222|Zea mays PCO107283 mRNA sequence

TGTGTGTGACCGTAGTTCATGCGAAGGAGAGAGCGTGTACATTGGCCACAATAATCGGCGATCCCACGTCA  
AAGAGATCAGTCAAATTTTGCGCCATTGTCATTCTACGATAACTCAAATCCCCGAGACATCGCTCAGCAAAAT



CCGAACCCGATCGCAGAAAAACATGGCCACGAAGGGAAGGCGGACGAGCAACTCTCCAGCTTCTTGCTGG  
TCTTCTTACCAGGTTGAATCACTTACAAACCAGGAAGAAGTTGAATTGCGTACAAAGATCGAAGCCCTCGGA  
CTTGAAGTTACAAAAGTACCCTCAAAGTCCTTAAAGCAGCTTGATGAACTGGAAATTGCCAAGGAGTTGGATA  
AGCTATCTGAAAAGCTAGATAACGTGGATGAAATGATTTCTTCAGCAATGGCTTCAGATCCACAGGTGCAGTC  
CCTGTTGAGTGATACTGCTGATATTTGGATGCCGGTGATAACTGCATCGGCTGACGAACGACGAAATTTTACA  
TCTTCCGTTGGAGAAAATCCAGAAACAGAAGCAAACCGTGGAAGTTAGATATCATCTTTTTCTTCTTTCTTT  
AAAGGATAAGTAATTACAATTATCTGTCATAATTTTGTATATCGATAAAGAATGTGTTTTAAAGCTAGCTTAT  
ACAGTGGTTGGAACTTGGATCTATTCTTCCAACCAATCTGTCTGTAGAAATCCTTCATAATTGTCTAAAGATA  
AATATTGGGAAGGGTTTTTTTTTAAGAAAAATTATTGATGTAAGTAAATATGCTAATCTGAGATATTGCCCTTT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3820 Z73954|L.japonicus mRNA for small GTP-binding protein, RAB11F

GGAATTTGGGGAAGGGATTTAGTTTAAAAGGTTTATTAAGAAAGAAAGGGTCTCTGTTTTTCCCTTTGGC  
AGAGCAGAGAAACAGAGAAATGGCGGACTCGTTGGACGAAGAGTGCGATTATCTCCTCAAGGCGGTTCTTAC  
GGGCGATTCCGGCGTCGGAAAAATCCAATCTCCTCTCTCGCTTCTCCAAAAATGAATTCCGATTGACTCTAGAC  
CGACGATCGGTGTCGAGTTCGCTTACCGGAATATTAAGGTCGCCGATAAACTCGTCAAAACCCAAATCTGGGA  
CACCGCCGGCCAAGAAAGATTTAGGGCAATTACAAGCTCTTATTATCGAGGAGCATTAGGAGCATTACTTGTT  
TACGACATAACTCGTGTAGCTACATTTGATAACATAAAGAAGTGGCTACGAGAATTGAGAGAGTTCGGAAATC  
CAGATATGGTAATCATTCTAGTTGGAACAAATGCGACTTACATCAATCTCGAGAAGTACAAGAAGAAGAAGC  
GCGACATTTGGCCGAGTTGGAGAAGTACTTTTCATGGAAACCTCCGCCAAAGATAATTTGAATGTAGAAGAG  
GCATTTCTTGAAATGGTTGCTAGGATCCACGCCATCGCTTCTCAAAGACATTGGATTTGCATAAAAAAATCGT  
AAAGCTTGTTGATTTTCAAATGGAAAAGAGATTATTAGTATTACGAAGTAACTCCAACCAAATCCAATTCAA  
ATTGTTGTTCTTTTTGAAAATTTAGTTTTGAATGGTGAGTCAAAGTATCTATCTTATAAATATATTTTATTTT  
TCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3821 NM\_001066661|Oryza sativa Japonica Group Os07g0585800 (Os07g0585800)  
mRNA, complete cds

ATCGACCGATGGCTAACTCCTTGACGCGAATCTGGAGCCACGGACGTGCTCTTCGGAGCACAGTGGCTCCTCT  
TTCCAGGTCATTCTCCACCGATTCTTTGGTTCAAGTCAAGCCCGGCGAGATCGGTATGGTTTCTGGAATTCCAG  
AGGAACATCTTACCAGAAGGGTTGTAATTTACTCTCTGCTAGAACTGCATCCCAACAAGGATCAGGCAAGGT  
TGGCAAGTGGAAAATCAATTTTGTGTCAACACAAAAGTGGGAGAACCCATTGATGGGGTGGACTTCTACTGG  
GGATCCCTATGCCAATGTAGGGGATTCTGCACTGTCTTTTGATAGTGAAGAAGCTGCAAGGCATTGCTGAG  
AAACATGGATGGGAATATGTGGTTAAGAAGCGCCACACACCACTTTTGAAGGTTTGAGATTCTTTCCATTATT  
TCGATTTCACTGAGCTTGTTAATTGTCTTTTTAGTTGGATGCCCTCCATAGTGCCCACTGAAGTATAGAGTG  
ATTCGTCCATTGAGCTTTCTGTCTTATTACAAGCGTCAACTATTTCCAAGGAATTAGCCCTTTTGTGAAATTAC  
ACATTTGATCAATGCAACTTCTTTTCATCATCTTTTAGAATTTTGTCTGGCGTTTTTTGGCGAAGGCGTACGCAGAC  
AATTTCAAATGGAAGGGCCCTCCTGCTGAAGCCAAGGAGGCTTAGACCTTGTTTGACACTCCTTTCTTATCTAA  
TTGGAGGCTAAACAGACTGGAGGGTTTGCCTAGTCAATTCGTTGCTATTTTTGAGGAAGTTGGTTGTAATA  
AGTGAGAACCGTGGTGTATACTCACTTGAC

>trans\_c\_3822 AY054286|Arabidopsis thaliana At1g10180/F14N23\_6 mRNA, complete cds

TGACCAGGAGTTTTGGGGCGTTTTTGAAGATAATTCAGTTGATCTCCTGCCTTTTCGGTTTGCAGCAGTTAATTC  
TTGATATGCACTTCACTGTTGAAATAGCACGTTTTGCTGGCTACCCGTCTCGCCAAATCCATCAGATTGCGTCT  
GCCATTATTGCTCGTGCAATCAGGACATTTTCTGCTAGAGGCATTGATCCACAAAGTGCATTCCTGAGGATGA

ATGGTTTGTGAAACTGCCAAGTCTGCAATCAACAACTTCTAGGACCTGATGGGTCTGATGGTTCCGAGATC  
GATGATGATCACATTATTCTACATGACGACGACGTCTCGGATTCAGATGATACTACATCCTCTCTTTCAACACT  
GGAATCTACAGAGTCTTTTGCTCTGCAAGTATGGGAGAACTCGAGAGTCCATCTGATCTCACCGATTCTGAG  
AACTAGTTTAAAAAGATGGAACAGAAGCTGGGCCTTGCATGTATAGCAATTATCAACCTTCAGAAATCGCTTT  
CGATAAAGTCCTGATCCAGATTTTGAGCTATGAGATTGTAGAATACAAGGCTTGTAGTAGTGTTAATTGTAGA  
TTTGGTGTAGCTTATGCTTAATGCTGTGATTAATAAACTATTAATGTATTTTCATGCTGTATTAATCAATGATCAC  
ATCTTTCCAGAAACGAAAAGGATGATCGTCCACAGTTCTCATATATGCTTGAATGATAGGTCAAGCATATCAT  
AATTTAACATAGTTTGTAGTTTTTTTTGTTTATTGAAGTTGTAGTGGATGGAGTTTACATGTTTTTCATAATTATCT  
TTTATTTATTTATTTTTACTGAATACAC

>trans\_c\_3823 NM\_129283|Arabidopsis thaliana ATRPS5B (RIBOSOMAL PROTEIN 5B); structural  
constituent of ribosome (ATRPS5B) mRNA, complete cds

AACACTTCAGCCGCATCGTTCCTCTTCTCTAGGGCCATAGAGAAACCAGTCCGCCATTGCAGCGCTTAATAACC  
TTTCTCCTCACTTTCTCTTTATCCTTTGCCTCACTACTACGGAATAATGGCTGTTGAAGTTGATGTGGCAAGCCA  
GGAAGTACCCAGTCTCATCACGATGTGAAGCTGTTCAACCGCTGGACCTTTGATGACGTCCAGGTGAATGAC  
ATCTCTTTGGTTGATTACATTGGGGTTGCACCTGCCAAGCATGCCACCTATGTTCCCCACACTGCTGGGAGGTA  
TTCTGTCAAGCGCTTTTCGAAAGCTCAGTGCCCAATCGTGGAGAGGCTCACAAATTCATTATGATGCATGGT  
AGAAACAATGGGAAGAAGCTTATGGCAGTCCGGATTATTAAGCATGCAATGGAGATCATTATCTTCTAACTG  
ATCTCAACCAATCCAAGTTATCGTTGATGCTGTTGTTAACAGTGGGCCTCGTGAAGATGCTACACGAATTGGT  
TCAGCCGGTGTGTTAGGCGTCAGACTGTGGATATATCCCCTCTGCGTCGTGTTAACCAAGCAATCTATCTCCT  
TACCACTGGTGCTCGTGAGGCTGCTTTCAGAAATATCAAGACAATTGCAGAATGTTTAGCTGATGAAGTTATTA  
ATGCAGCAAAGGGTTCTTCAAACAGTCATGCAATCAAGAAAAAGGATGAGATTGAGAGGGTTGCAAAGGCTA  
ATCGTTGAGGTAATATGTCAAGGTTCATTTTATGTGACACAACAAGAGTTTTATGTACTATTTTTTTTTGTCTCT  
GGCTACATTCTTCTAATGAACACTATAGTT

>trans\_c\_3824 XM\_002878675|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L35, mRNA

AGAGCAGGCCAAGTCTGAGGCTCGTAGAGATTGGTAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAGTCGAGACGCTTCGA  
AACTTCAGAAGCTATGGCATCTGCTTCAATGGCGGTGTCCTTTGGTCTTAGGTTCTCCCCACTCTGCTCTCGCCC  
ATCATTTTCGCTCTCTCATACTCCGTCGGGCTTGCTTCTTCAACAAGGTCAATTCCTTGAAGCTTAGTTCCTCC  
CACAACATTTCCGGCTTTGGACTCAATTTCTTCAGAAGCTATCTCACATTTCTCCCACTTCTCAAATTCATACTC  
CTTTTACTGTCTTCGCTGCTAAAGGCTACAAAATGAAAACACACAAGGCTTCGGCGAAGCGATTGAGAGTAAC  
GGGTCGGGGGAAAATCGTTCGGAGGAGAGCTGGAAGCAGCATTGCTGTACAAGAAGAACGCAAAGAGG  
AGATTACGCCTCTCCAAACTGCACCCAGTGAGCCGGAGTGACTATGATAATGTGATTGGTGCTTTGCCGTACTT  
GAAGGTGAATAGGCAGGCCAGTAGAAGTGATCTTGGGATCTTGCCTGTACTTAACCTTCATTTTGTAAACAAA  
TGATTTTCAATTTTCCAGAAGTCAACAAAGGGCAAAGTTTGATTGCTTAAAAATATTATTTGTTCTATTTATTCCC  
TCAGTTGATAATGGTACCTACAACCTTCTTTCAGTTCCTTTCTCTATTGTTGGCTACAAAATGCAGCTTATTTCT  
TCTGTAAATTATGAGTACCTTAGAGGGTTCTTTGCCCATATGGAAAATATCTGGTTTGTGCTTAANACTCA  
GCCCCATTCTCAAACCTCTGTAA

>trans\_c\_3825 AY050898|Arabidopsis thaliana At5g63870 mRNA sequence

ATGGCAGTAAAGTGTAGAAAAATAAAATAGTATAGAAATGGAGGCGCTGCCATTGCTAGGGCTTGCTACATC  
TCTTATCATTCACGACGAAGAAGATAACAATGTCGTCGAAGCATTTTTTCGGATTTGGATTCTTCAGCTTTGCC  
CAATCCGATCCCCACGGATGTTACTCCGGCTCCTTCGATCATCTACCCTCCACCACCTCCTCCACCCTCTCT  
GAATCTGAAGAAATCCCTGCACATCATCTTCACCGTCCTCCACTCCACCTCCGATTCACTTACCTCTCTCTGGC

>trans\_c\_3826 NM\_102052|Arabidopsis thaliana SHM6 (serine hydroxymethyltransferase 6); catalytic/ glycine hydroxymethyltransferase/ pyridoxal phosphate binding (SHM6) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3827 XM\_002864649|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phospholipid/glycerol acyltransferase family protein, mRNA

>trans\_c\_3828 XM\_002886033|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GCIP-interacting family protein, mRNA

CTTCTCCCTTCTTCCCTAAACGCGAAGAGGAATCTGTTCCCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTCTTCTTCTTCGTG  
TTCTAACCCAAGCGGAAAAACCTAGGTTTCAGTGTATTATTGGGGTAAGATAAGTTGTTGCAGAGATGTCTGA

TGAAGGAAGAGTACACCCTGATTGTAGAAATGCTTCTAATCCTTATCATGAATGTAGCGAGTACTGCTTTAAA  
GTAATAGCTCAAATCAAAGCCCGGAGTCAGAAAAACGAGCCAGTTCCCACTTCATCAGAACTGTACAAGCTG  
GTCGAAGTAGTGGTTCTCCAGTTTTGTGCCTCCCGATGAGTATGAAGATCTTCATGATGAAAAGCCTGACGA  
AGAAGGGCACAGTGATGGTGATCTTGACAAATTTAGTGGCGAGGAAATTGTGGAAGGAGACTTCACAAAGCT  
CACGGGGAGGAAAAAGAAGTTGTTTGAAATTAGGCTTAAGATGAATGAGGCTCGGAAAGCTAATCAAACAG  
CAATCGCTGCCGAGAAAAAGAAAATGGAACCTCCATCAGAATCAAGAGGCATTTCTAAACAAAAGTGGCTTG  
AGGATCGGAAGAAGAAAATTGGGAAGCTTTTGGATGCAATGGCTTGGATATGACAAAATCATATATGTTAG  
ATACACAAGAGGCAGCAGAGGCCAAATATAAGAAATGGGAGAAGGATCCAGCTCCCTATGGATGGGATGTC  
TTTAACCAGAAAACTTTATATAATGCATACAAGAAGAGGACGAAGAATGTAAATATTGACCTTGAGGAATATA  
ATAAAATGAAAGAATCTGATCCTGAGTTCTACCGTGAGGC

>trans\_c\_3829 Novel Gene

ACACACCGCAGAAGCAGAGCGTTAAGCTCATCAGAAAACTTCTGAATTTCACTCATCAATAACAAATTCAAAT  
TCCCAAAACCCCCATTTAAATGGCTTTTTCTATATGTTCTTCCACACCCATTTGCTCCTTTAATCACTCCAGCAAT  
CCCAAACCCGGGGTTCTTGTGGAATTCAGTGCCTCAGAAGGCTTTTAGGATGAATGAGGCGGTTCAAAGA  
ACAAACCCCATAGGCATTTGTCTTTGAAGCCAAGGCTTCAGATGGTGCGGATAGTAAACAAACGACAAAAT  
ACAAAAGCATAGTTTGCAGTATTGCGATGGAAATGGTGCTGTCCTATGTTCTCAGTGCAAAGGAACAGGAGT  
TAATTCAGTGGATCACTTCAATGGACAGTTTAAAGCTGGTGGCTTATGCTGGTTGTGCAGAGGCAAAAGGGAT  
GTCCTTTGTGGGGGCTGTAATGGAGCTGGTTTTGTGGGTGGATTTATGAGTACAGCTGACAGTTAGTAGTTTG  
TATTGCGAAGTATGAGTTTTCTTTCACCAAGTCAATTTATGGGTTGTGTGAGATGGAAAGACATACTAGTTTCA  
GTAATTTTGTATAATGGTTCATATAATTCCAAGCTTGTAATTGAAATTATGAATGTTTTTCTGCTATTCACCAT  
TTGTTTTTTTGCATTCCCCTGAATTTTGTAGATCTTTGAGATGTAGTATATGACTACCATATACTTTTTAGGTTTG  
TTAATGGTAATAAACTATAAGATGTTAAAAATGTTGTAAGAATGAGGCAGTGACATAAATGACTATTCGCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3830 AY058189|Arabidopsis thaliana AT4g18950/F13C5\_120 mRNA, complete cds

TGAAAGTTGAAACGACACAAAACGAGTTCTCGTTGTTCTCACCGGAACTCATCGATTCAATTTCACTCCGAAAC  
CTAGCTGTAAATTTGTGATACTCCAACCTCATTTTCTAAATTTAGTTGAGCGAAATATTGTTTTTCATTGCCGGAG  
ATTGCTCGGAAAGAGTAGTGCTTGTTACTTAGGGTTTTAGAAACAAATGGAACGAATAACAGTAACAACAAC  
GGGGTGAGGTTTTTTGTTAGGGAAGCAATCGTCGATGGCGCCGGATCGCCAGCCAGAGGAGGCGAAGTTGGC  
GGAAGACGGCGAGGAGATCGATCCAGGGGTGAGATTGATGTATTTGGCGAATGAAGGCGATTTGGAAGGG  
ATTAAAGAGCTTTTAGATTCAAGGAATTGATGTAAATTTTACGATGTTGATAATCGGACGGCGCTTCATGTTGC  
TGCTTGTCAGGATGCTCCGAGATCGTCGATTTATTGCTCCGCCGTGGCGCTGAAATTGACCCTAAAGATCGC  
TGGGGTAGTACGCCTCTTGAGATGCTATATTCTACAAAACCATGAAGTTATCAAATTGCTGGAAAAAAGTG  
GCGCAAAACATCTGATGGCTCCCATGCATGTCAAACATGCTCGTGAAGTCCCAGAATACGAAATTGATCCTAA  
AGAAATTTGACTTCACAAACAGTGTCAACTTGACCAAGGGAACCTCCCATCTTGCATCGTGCGCGGAATCCAA  
GTTGCAGTTAAAGAGCTTCCTGAGGATGTGATTTAGAGGAGGATAAAGTGAACGCCTTCAGAGATGAGCTT  
GCATTGCTTCAGAAGATTCGGCATCCTAACGTGGTTCAA

>trans\_c\_3831 BT015388|Arabidopsis thaliana At2g41945 gene, complete cds

AAAACTGAAGACGGAACCCGCGAATTCGTTGCCGAACAAAATCTTCGGAGCGAGCTTGAGTCCAGACATGG  
GTACTAGAGAAGTTTACGAACAGAAGCTAAGAAGTGGAATCTGTACCATGAACCCACTATGAATCCTGGGCT  
CGGATCGCCTCGTTGCCCTCGCTGTTTTCTTCTTAAACCCGACCCTGATAAAAGTGAATGGGCCGTCAATC  
CTGTTCTCCACGATGTTACTGCTGTGGCAGGATCCGGCCTTGGTGGGTTGCTGAGTGCAGTTCATGCCTATAAT

ACAGGGATCCCACACCTCCAGAGTTATGTGAAGGGACCAAAGTGGCTTCCTTTTGTAAATTGGGGTGCCCGCCC  
TATTATTGTGCTCGAGTGCTGGAGCTACATTTGGAGGTTTTGTTCTTCCAAGATTTACTCAACTCACTGTAACAT  
CCTACTATGCCACCTCAAGTGCTTCCATTATGGAGTTTCACTTCTCACTCGAAGAATTGAAGACAATCACACAT  
CCCAAACCTCAGCAAGCAAGCACTCAGTGATTTACAGGTGGCATAATTTCAAGCAAGGAATCTTCTTTTTTATT  
TTCCTATTCTTTTTTCTGATGGAAATTTTGCAAAGTCATCTTTGGCTGTAGATTTAGTCATTTAGAACGTCTAA  
TTTGTTTTTGCTTTTGTGAAGACACCTACCAATGTATGTAAATTGCAGAGAGTCTCTGTTTTGCAGTATAATATC  
CAAGTAATAACGTTATTAGGGTGGTGCGACTTTCAACTAACAAGGAATATTGTTGAGAAATTTGTATACCTTTG  
CTGAATAACACGAAAACCTTACAGC

>trans\_c\_3832 EF690362|*Malus hupehensis* sucrose non-fermenting-1-related protein kinase 1  
mRNA, complete cds

ATAAAAAGAAAATAGAAAATGGACAATTCGGAGAGAAAAGAAACAAAGAAAAGAGTTTTTCTCTCTTAGAA  
TCCATTGCACAGGTCGTTGCGCGCTCTCGCATCGGTCCCAACATCCATTGCTACGCCTCGTTGCCCTTCCCTTC  
ACTCTCAACCAGCATTCTCCTTCTTCTTCATCAGATCTACACTCTCCATCGATTTCACTCTCAGCTGTCAAATGGA  
TGGACCAACTGGTCGCAGCGGCGGTGGCATGGATATGAATGTGCCAACTATAAGCTTGGGAAAACCTTGG  
CATTGGTTCATTTGGGAAAGTGAAAATTGCCGAACATGCTTTAACTGGTCATAAAGTTGCTATTAAGATCCTTA  
ACCGCCGAAAGATAAAAAAATTGGACATGGAAGAAAAAGTGAGAAGAGAGATTAAAATATTGAGATTGTTCA  
TGCATCCTCACATTATACGGCTCTATGAGGTTATAGAGACCCCTTCGGACATTTATGTTGTGATGGAGTATGTA  
AAATCTGGGGAGCTCTTTGACTATATTGTAGAAAAGGGAAGGTTGCAGGAGGATGAAGCCCGCAATTTTTTCC  
AACAGATCATCTCTGGTGTGGAGTACTGCCACAGGAATATGGTAGTTCACAGAGATCTCAAGCCAGAGAACTT  
GCTTTTGGACTCCAAATGTAATGTGAAGATTGCTGATTTTGGTTTGAGCAACATAATGCGTGATGGTCACTTTC  
TGAAGACAAGTTGTGGGAGTCCCAATTATGCTGCCCCAGAGGTCATCTCTGGGAAATTATATGCTGGACCTGA  
AGTAAATGTCTGGAGCTGTGGGGTGAATTTGT

>trans\_c\_3833 NM\_130139|*Arabidopsis thaliana* BAP2 (BON ASSOCIATION PROTEIN 2) (BAP2)  
mRNA, complete cds

ATCTCCGATTCTCTTCAGATTCTTAATTCTTCATTGATTTTTCTTCAAATTTTCCCATTCCTTTTCATATATGGCTTC  
ACGAACGTTAGAAATCACTGTCATATCGGGAGAGAATATCCAAATCCGTGGAAAGCCGATCAAGAGCGGTTT  
GTTTCGTCAGTGTTCGACCCGAGCTTCAAAGCGAAAATGGCTCTGTTAACACGAAAATCGATCGCGATGGTGAT  
GGGTTCCCGAGGTGGAATGAGAAGCTGGTCGTCGATCTTCCAATGCACGCTGCGTTCGTCGTTGTGGAGGTTT  
GTCGGAGTGCTTCTTCGGGACGGAAGGTCAAGATCGTCGGGACGTCTAGGGTTCGGGTGGCGGACTTTGTCTG  
CTGGATACTTGCCGGAAGTCAATTTGCAGTTTTTGTAGTTATAGGTTGAGAGATGAGAGAGGAGAGAGGAATG  
GAATTATTAATTTGTCGGTGAGAGTGAAGTTGGCGCCAGGAATTGAGAGGATTGGAGTTCGGGTTCGGGTGG  
CGATGCCGGAAGGGAGATTCCACGGTGGCGGCGTCGGAGTCGTGACAGGTATTCCGATATGGAATGTTGCAT  
ATAGAGATCGATTTTAATTGAAAAAACCTATTAATCAAATTCCTTTTATACTATTCTTTTATATAATGTATA  
TAAATCATTCTTTTGGTTTTGTGTGGCCAAAATTCCATGAGATAATATTCAGAAATGTTCAATATTCTTTTGAA  
TTCCAATTACCTATAATGGTTGTTCAATTTATTTGTTTGAAATTATACCAATTAAGTATGATAATATCTACTTTG  
CGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3834 NM\_129240|*Arabidopsis thaliana* ACT domain-containing protein (AT2G36840)  
mRNA, complete cds

ACCCTAGTTCAAATTGTCTGTCAAGATCACAAAGGTCTTATTTATGACATTATGAGAACTCTCAAGGACTACAA  
TATTCAGATCTCGTATGGACGATTAGTAAGAAGCAGAAAAAATATGTGAGATTGACTTGTTTCATCATGCAA  
GCTGATGGAAAGAAGATTCTAGACCAAAGTAAGCAGAATGCATTGTCAACTCGCTTACAGATCGAACTGATTCT

GTCCCCTCAGAGTAGCTGTCTTGAGCAGAGGTCCCGACACAGAGCTCTTGGTAGCAAACCCCACTGAGTTATC  
TGGCAAGGGTCGACCTCTTGTGTTTTATGACATCACCTTGCTCTAAAATTGCTCGACATCGGTATCTTTTTGGC  
AGAAATCAGACGCCATTTGATTGGAGATCGAGAATGGGAAGTGTATAGAGTGATGCTTGATGAAGGAGCTG  
GGTCTTCGGTTTTCAAGAAGCAAGATCGAGGAAGGAGTCAGGAAGATGTTGATGGGATGGGCATAATATAGA  
TGGAACCTCTTAAGTGGAATAATTACATTAGTTAGCCTATATATATAGCTTGCTCTCCAGGTTAAGATGGGCTC  
CTCCTCCTTATCTTATTGATGCTTGTAACATGTTTTAAAGTGGTAGAATCGTGTGAATTATGATGTAAAGGTTG  
ATATGTTCAAGTCTTTGATAAAACAACCTTTGCCTTGAGAGTTATAGTGGTCTCAATTTTATACAGAGCACCTTTT  
ACTATTAAGTTGTTGCTAATTACCAAATCTATTAGTAGTAATACAAAGTTCTAGTGATTACATAATTTTTTTT  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3835 NM\_105687|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L12 family protein (AT1G70190)  
mRNA, complete cds

TCTCTCTGGAGCTTACCCACCACCCTGTCTCGACGACATTGAAGCTTCTTCGGCCATTATCGCCGGCAATCCACC  
AATATCCTCACGGCTCACTGTAACCCACCACGCTCCCTGCTTCAGCGTTTCGCTCTCATTTCTGGGTTGCATTCA  
TTCACCCTCCCTCAGCGCCTAATTCTCATCTCTCAGCCCTTAAGTTGGGGGTTTAGGGACCTGAGGTGGGCGTG  
GACTTTGAGAAACAGAGAAAAGAAATACCTGTCTTCTTGACCGGCCACTGAATTGTTCTCCGAAACTCAAAA  
ATGGGTTTCGATTTAAGTAGATTGCTACTTCAGGGGGAAAAGTTAAATTTGGTAACTTGAGAAATGCGCTTAGTT  
TCAAGAATAAGTCATCTTCTACCCAATGTGTTTGCAAACACCATTTCGCTCTTCTACAGTTGCCCTCAATCCTCTC  
AACAGAAATGGAGTGCATAGAAATTATGCTCAACCTTCTCGGATAGAGGAGGAAGAGGAAGAGGTGGAAAA  
TGATCAGAGAAGGCTTCAGCTGACTACGATCCTGCTAATTTTGATCCAACAGAGCATCGTAGTCCCCCAACA  
GATCGTGTTTTTAGGCTAGTAGATGAAATATCTGGACTCACATTAGTTGAAGTTGCTGAATTATCTTCCATTTT  
GATGAAAAAATTGGGAATGACAGAGATGCCAGTTGCTGGATATATGAAGCCAGGAGCTGTGGGGTTGGCT  
GGAATGGTGAAGAAGGTGTCATCAGCAACTGCTAAGGAGGAGAAGAAAGCAGAAAAGACTGTTTATGAGTT  
GAAACTAGAGTCTTACGAAGCGTCTGCAAAGATTA

>trans\_c\_3836 AJ130887|Fagus sylvatica mRNA for glycine-rich protein 2

CGTAGCGATTGGTTGGTGGTGCATGGCCGTCATCTCTCCTTACCTCTCCATCGCTCTCCTCCGCTCACCATCTCC  
CTCTTCTGACGACCAGCAACCCACCGTTCTCCCTCGCGCTCACCGTCTCCCTATCTCCTCCAGCCGACGCCATC  
ACCTGGCGACCGCCATTGGCCGCTCGACTCATCGGAGAGAGCCATCTCGTCGCGCTGCGCCACCATCTGCCAC  
CGTAGCCTCGCCAAATCTGGAAGTTGAGATTGAAGAGTAGCGGTGCCGTTTAATTGCTGTCCAGCGGGTTTT  
CTTTAAATTTTGGTACTTAGTAAAGGTAGTATCTGCTTCTATTAGTATCTGCTTCTAGTTGTATCTGCTTCGTAT  
CTTTAAAGATGCTTCTCTTTCCCTCCTTAAGACTGCTCAAGGACACCCCATGTTGGTGGAATAAAAATGGT  
GAGACTTACAACGGCCATTTGGTTAATTGTGACACATGGATGAACATCCATCTTCGGGAAGTCATCTGCACTTC  
TAAAGACGGTGATCGGTTTTGGCGAATGCCC GAATGTTATATTCGTGGTAATACAATCAAGTATTTGCGAGTT  
CCAGATGAGGTTATTGACAAAGTTT CAGGAAGAAACCAAAGCCGTGCAGATAGAAAGCCTCTGGGTGTAGG  
GCGTGGAAGAGGAAGAGGGCGTGAGGATGGTCTGGTGGCAGACCAGCTAAAGGAATGGGGAGAGGCTTT  
GATGATGGTGCGAAAGCTGCTTCTGGCGGCCGTGGAAGGGTGGCCCTGGTGGGAACCCGGTGCGAACAG  
AGTTGGAGGCAGGGGAAGAGGTTGATCAGATTGAT

>trans\_c\_3837 AJ517208|Medicago truncatula mRNA for phosphatidylinositol 3-kinase (pi3k gene)

TTACTTGACTCCTTATAAAGTTTTGGCAACTGGACAAGATGAAGGCATGTTGGAATTCATCCCATCTCGATCTT  
TGGCGCAGATACTTTCAGAACATCGCAGCATTATAAGCTATCTGCAGAAAGTTTCATCCTGATGAGCACGGGCC  
CTTCGGAATTACAGCTACCTGTCTCGAAACATTTATTAAGGCTGTGCTGGATATTCTGTCAATTACGTACATATT  
GGGCATTGGAGATAGGCATCTGGACAATCTTCTCTTAAGGGATGATGGGCGTCTTTTTCATGTTGATTTTGGTT

TTATCTCGGCAAAGATCCCAAGCCATTTCCACCTCCCATGAAGCTGTGCAAGGAGATGGACGAGGCCATGGG  
CGGGGCTGAAAGCCAATACTACACAAGGTTCAAATCGTATTGTTGCGAAGCGTACAATATTCTTCGAAAGTCG  
AGTAATCTTATCTTAAATTTATTTACCTGATGGCTGGTTCCAATATTTCCCGACATTGCTTCTGATCCTGAAAAG  
GGCATTCTTAAGCTTCAGGAGAAATTTGCGCTAGATTTAGACGATGAAGCGTGTATACATTTCTTCAAGGTCT  
TATTAACGAGAGCGTTAGTGCCTATTTCTCAAATGGTTGAAACAATTCATCGCTGGGCGCAATACTGGCGG  
TGAGCGAACTGTTGGATTTGAAGGTCAGAGTAGAGTACTTTTGTAGTTATTTACAGTCTGTTTTCTTTCTCTG  
AAAAATAGTTTTAGTTGTTTGAAGTTCTCAGCCAGCAATGTTGAGCCTCTTCTTCCCCATCCCCATGCTACTCAA  
TAGCAAAATAAACTTCTTCATCAGAA

>trans\_c\_3838 DQ223268|Lycopersicon esculentum ethylene-overproducer1-like protein (EOL1)  
mRNA, complete cds

AGGAAGGGCTCCAAAAGGCTGAGGAATCAATTAATAAGAGATCCTTTGAAGTCTTCTTTTTGAAGGCCTA  
TGCACTGGCTGACTCAAGCCAAGATCCGTCTTGTCTTCTACAGTTATTTCTCTCCTAGAAGATGCTTTGAAGTG  
CCCTTCGGATAGGTTGCGCAAAGGTCAGGCACTAAACAATCTTGGAAGTGTATGTTGATTGTGGGAAGCTA  
GACTTGGCGGCTGACTGCTACATTAATGCCCTCAAAATTCGTCACTCGAGCGCATCAAGGGCTTGCTCGGG  
TTCATTATCTAAGAAATGATAAGGCTGCTGCATATGAGGAGATGACCAAATAATTGAGAAAGCACGCAATAA  
TGCATCTGCATACGAGGAGAGATCTGAGTACGGTGACCGTGACTTGACCAAAGCAGATCTAGATATGGTTACT  
CAATTGGACCCTCTTCGGGTGTACCCATACAGATACCGTGCCGCGAGTGTGATGGATAGCCACAAGGTAGACG  
AAGCAATTGCCGAATATCAAGGGCAATAGCATTCAAAGCAGACCTTCACCTTCTACACCTACGAGCAGCATT  
CCACGAGCATACTAATGATGTATTGGGGGCTCTTCGGGATTGTGCGAGCTGCTCTTCGGTTGACCCAAACCAT  
CAAGAAATGCTGGAGCTTCATAGCCGGGTAAACAGCCATGAACCATGAGTGTGTAGAATGGGTGATTAATAAC  
AAAATGCCAAAGTTGCAATATCATCAGCACAATGTATACCTAGAGGATGTGTATGTAACGACCATTTCATAGA  
TTTTTCCCCCATATTTGAGGTTTTGTAAGTTTATA

>trans\_c\_3839 X94943|Lycopersicon esculentum mRNA for peroxidase precursor (cevi16 gene)

TGCTTCGTTTCGGGGTTGTGATGCCTCCGTGCTCCTTGCTGGCGCTAACAGTGAGAGGACTGCATTACCAAACC  
TTTCGTTAAATGGGTTGGAAGTGATTGACGATGCTAAATCTCAACTTGAAGCTGCTTGTCTGGCGTTGTATCT  
TGTGCGGACATTCTTGCTCTCGCTGCTCGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAG  
CAGGACGAAGAGATGGGACAATTCGGTGGCTTCAGAAGCTAACAACTTGCCTGGATTACAGATTCTATTGA  
GGCTCAAAAGCAAAAATTTAGTGATAAAGGTCTCAACACTCAAGACCTTGCTACTCTCGTGGGTGGACACACA  
ATTGGCACAACACAATGCCAATTTTTGAGATACAGACTCTTCAATTTACAGCAGCCGGCGGTCCAGATCCAAC  
CATGGACCCAGCCTTCGTGACTCAAATGCAGGCACTGTGTCTCAAACGAGATGGAACCCGTAGGGTCGG  
TTTGGACACGGGCGAGCGTCGGGCGTTTCGACACAACCTTCTTCAAACCTTAAGGAACGGACGTGGGGTTTTG  
GAGTCGGATCAGAAGCTATGGACGGACGCTTCACTCGTACTTTTGTACAACGGTTTCTGGGTTTGAGAGGCG  
TTTTGGGTTTGACCTTCAATCTTGAGTTTGGGAGATCTATGGTGAAGATGAGTAATATTGAAGTTAAACTGG  
AAATCAAGGAGAAATTCGTAAAGTTTGTCTGCAGTTAATTAACCTAACTACACATGAAATCTTTGTATTAATT  
TTCTTTTACATTATTGCAATGTTTAAAGTAAAA

>trans\_c\_3840 FJ604856|Vitis vinifera strain DAHPS01 3-deoxy-D-arabino-heptulosonate-7-  
phosphate synthase mRNA, complete cds

TGTTGTCCTTATGTTTGGTGGACAAATGCCTGTCATCAAGGTGGAAAGAATGGCTGGTCAGTTTGCAAAGCCC  
AGATCAGATCCCTTAGAGGTGAAGGACGGAGTAAGTCTGCCAAGTTACAAGGGTGACAACATCAATGGCGAT  
GATTTTACTGAGAAGTCAAGGATTCCAGACCCTGAGAGGATGATTAGAGCTTAACTCAATCTGCTGCAACGC  
TTAACCTTCTTAGGTCCTTCGCCACTGGAGGATATGCTGCAATGCGGAGGGTCACTCAATGGAATCTTGATTTT

>trans\_c\_3841 BT010169|Arabidopsis thaliana At5g43940/MRH10\_4 mRNA, complete cds

```
>trans c 3842 Novel Gene
```

>trans c 3843 AY094395|Arabidopsis thaliana AT4g01950/T7B11 21 mRNA, complete cds

ACACAGTGACGTTCAATCCACTTAAAGCATTGATGGGGTATGATAAAATAGGAGGCCAAACACATGTAAGCAA  
ATATTCTAATGAAAGCAAGAATTGGGGCAAAAGGGAGCCAAATGAATAGGGCAAAAGTGTCGAAAGGAGTT  
GGGTTTAGGGCTAATCTTCCATCATGAAACACTAATGGCTTTGAAAATTGTCTCTAGGGAGTTGCTTCCACCT  
TTTCTTTTCTGCTTACCCACTGTATAGATCTCATTGCAAAATGGAAGAAAGTAAGTAAAAATCATAACCCTTTTG  
AGAGCCACAAATCCCAATCAAATTGCCATTCTTATCAAACACATCACTCTTTTTCTTTTCTTCTTCTTCTTGAT  
CATGATTAATCAAATTTAAACAATGAAGAAACCTTACCTTTTCATCCATCAAGCCCACAAAATATCCACAAAAA



ACCTTCAATTCTCTCCCAACCACTTCCTCAACCTCCAAATAATCTCTCAAAAAGCTCTCAATCATAACTTGAGGA  
AAAACATTACTAAATCCAATTCTCTTCTCCCTTTTCTCAAAGCCTCGAACGCCTCCAATCCAACGTCGTTTAGA  
AAGAATTTAGGCAAACTGATGATCCAATTCTAAAGTTTTCTTTTTTTACTCCAAAAAATGATATCATCACCATA  
ATCTTCAACCCCATTTCTTGCCGACAAGTCGGATTAAAGGGTACAACATCAATAAAGCTGTCGCACGGAGTA  
GTCCACTTGCTTCAAAGCGACCAACATGAAATATGAGAAGAAATACGGAGATGAGGGTTTTAATAGACCTTC  
TTCCACGTTAAAGATAATAACTTTG

>trans\_c\_3844 AY113065|Arabidopsis thaliana At1g04990/F13M7\_1 mRNA, complete cds

GTGCTCTGTATAATGGGGAACTTCCAGAAAGAATTGGGCAACCCGACTGTGAGTACTTTCTGAAGACAGGGA  
CCTGTAAATATGGAGGGTCATGTAAGTATCATCATCCAAGAGATAGGCGTGGAGCTGGGCCTGTTACATTTAA  
CATTTTAGGCCTTCCCATGAGACAGGAAGAAAAGTCGTGCCCTTATTATTTGCGCACTGGATCGTGTAATTTG  
GAGTTTCGTGTAAGTTCAATCATCCTCAGCCATCACCAGTTGGAAATTCGTTACCTCAAGCTAGACCTGGTGCG  
TTGGGTTCTGGAGGCACTCCATTCATGCCTTCATCTGGTGTGCCATATACTGGTGGAATTCCTGCTTGGTCATT  
GCCTAGAGTACAATATATGCCTGGTCCATGTGTACAAGGCCAACCAATCTTATGTGCCTGTTCTGGTTTCTCCAT  
CACAGGGTGCTATAGCTGCTCAAGACTGGAACACTTACGTGAGCAATGTCAATCCTATTCTTCCGAATCTTGGT  
TACAACCTATCAATTTGGAGGACTCATATTCTAATGGGCAGTTGGCCTTATCAACATCAACTCCAACACTACCT  
GATCGACCTGATCAACCAGAATGTCGTTATTTTCATGAACAATGGCACATGCAAATATGGTTCTGATTGTAAATT  
CCATCATCCGAAACAAAGAATTGCACAATCAGCAACGAATGCACTGGGACTTCCTTCAAGACCCGGACAAGCT  
ATATGTTCATACTACAATATGTATGGGCTGTGCAAGTATGGGCCAAGTTGTAAATTTGACCACCCATCTCCAC  
ATATCCTTATAATTTATGGTTCCCTCTG

>trans\_c\_3845 NM\_114198|Arabidopsis thaliana ATMIN7 (ARABIDOPSIS THALIANA HOPM  
INTERACTOR 7); guanyl-nucleotide exchange factor/ protein binding (ATMIN7) mRNA, complete cds

AGGATTCTAGTGCGGTAAACAATGTTGACAGAATAGCTGAAAACAGGCTAGTGTCGTTCTGTGAACAGGCTCT  
TAGGGAGGTATCTGACCTGCAATCCTCTGCAAGTGGAAACCACGCACATGGATGTTTCATCGAGTTTTGGAGTTA  
CGTTCTCCAGTGATTGTTAAGGTGATCAAAGGCATGTGCTTCATGAACAGTCAGATATTCAGAAGACACCTGA  
AGGAGTTTTATCCTTTGCTTACAAAACCTGTATGCTGTGACCAGATCGATGTTCTGGAGCACTTGGTGATCTC  
TTCAAGATACAATTGAAAGCACTATTGCCGTAGTTTCAATTGATTCTTTGTTCTCAAAGAGTGCTTTTAAGCATT  
GTTGCACAAAATGAAGCTGATCATCATTGCATCACTCACCTATATCCGCCATATGTTTCATGTCCCTCAAAATCG  
AGTTCTCTCCCTTCGGATGACAGTTATTTCTTCAATGTCAGATTTTTTTTTTTTTTTGTTGGTAGGAGATGGAAGG  
AGAGGGTAAAAGTAGAAGCTAACCATGGTTAGAAGAGGCAAACAGCAACATATTTTATCGTCACGGATGAAG  
TGAAATAATTGATCTTACCGCGTCGTCATGGTAGCCTTGGGTAAGAATTTTCAAGATATTATGCCCACTCTCCAAT  
TTTGAGGTGTGAATTTGTTACTTGATTACTCAAAGTATTAATTTTAATGACTTGTAATTATTCATATTAGTTATA  
AGCTCATTTGAGTACAAAGCTTTTGTATATTTCTATATATTCTACTTTTCAATATATGGTTATATTCTCTTGANG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3846 BT003701|Arabidopsis thaliana At3g03590 mRNA, complete cds

ACCAAGTTTCAGACTAAGTCGAGCGGAAGCGGTCAAAAACCCTAGCAGTTAACGTCGTCTTCATCGGAGCAA  
AATGGCCTCAGGTCTTAGCAATGGCACCAGGTTCTTCAGAGGCTGCAAACTCTCTTAGATTCTCTCAAACCCA  
CCTCAAGCTTACTCTTCTACTCCTGCGGTCTCTTCCAAGAGTAAGCTAAAACCCCCAAGTGCCGCCGTTTCG  
GGCCAAAATCGAAAGCCGCACCAAAGAGACAGACGAATTCCTCGGGCGGGATTATGAAGTCCTTAAAGTT  
TCTCCGACTCTCGCTGGCTTCCTTGGCCAGTCCGAGATTCGCGCGCTGATGCCATCAAGCAAATATGGTCGTA  
CATCAAGCTGAATAACCTCCAGAACCAAAGTATAAGAGGCAGATCAATTGTGATGCAAAGTTGAAGGCCAT  
ATTTGGTGGAAGAGAAAAAGTGGAATGCTTGAGATTTCAAATTTCTTTCCCTCATTTTGTGAAATCTGGTT

AACCTAAGCTTTCTGTGCATTATTGCCTTAGCTGTTCTAATACTTCTCTAAACCTCTCTTCCAAATCCTTGTGAT  
GTTTTGTTATGTTCTATTAGGTTTTGTTAGGTTTTGTTGGTTTTGTTGGCTGATCCTATGACATCATCTTCGCC  
ATTTGGTTTTACTCAGATTTAGGAAGAGGGGGTGTTCCTGTTTAGACATTGTTGACTAATAGTACTTTTCATTA  
ATTAAGGAACCTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3847 FJ207518|Litchi chinensis peroxidase 5 (POD5) mRNA, complete cds

TGCTCATATCTTCTTCCCCTCTCCCAATTTTTATTAATTTGATAAAATGGGTCGCTTCAATCTCATTCTTACACTC  
TCTCTTCTTCTCTCTTCTCTTCTTCCCTTCCCAACACTCGCCCAACTCCGACAAAATTTCTACGCCAACATTTG  
TCCCAATGTGCAAAACATTGTCCGCTCCGAAGTTACCAAAAAATTTCAACAACTTTTCGTCAGTGTCCCGCCA  
CTCTTCGCCTCTTCTTCCATGATTGCTTTGTTTCAGGGATGTGATGCCTCTGTAATTATTGCTTCCACCGCATCCAA  
CAAGGCCGAGAAAGACCATCCCGATAACCTCTCCCTTGCTGGAGATGGATTGACACCGTCATTAAAGCTAAA  
GCTGCCCTCGACGCCATTCTCAATGCCGAAACAGAGTCTCCTGTGCCGATATTCTCGCTTTAGCCACCCGTGA  
TGTCATCGCATTGTCCGGCGGACCGTCGTACGCGGTGGAGCTAGGAAGATTAGACGGTCTGGTTTCTAGAGC  
CTCGGACGTGAACGGTAGACTCCCAGCACCAACCTTCAATCTCAATCAGCTCAATTCTCTATTTGCTGCGAATG  
GCCTCACGCAACAAGACATGATCGCTCTCTCAGCGGCTCACACCGTCGGATTCTCACACTGTGAGAAATTCTCG  
AACCGAATTTACAACCTTTGCCCTGGGAGACCAGTGGACCTTACACTAAACCGAACCTATGCAACCCAGCTAC  
AAGCGATGTGCCCCAAGAACGTGGACCCGAGGGTGGCGATTAACATGGACCCAATCACCCCAGAGCGTTTG  
ACAACGTTTACTTTAGAAATTTA

>trans\_c\_3848 AY056419|Arabidopsis thaliana At1g30270/F12P21\_6 mRNA, complete cds

GATTTAGATATAAGCTCGAACGCATTCATCGTAAGAGGGGATTTAGATCCTTCCTCTTCTTTCCACGACAAGA  
CTACCCGAATCCCCTGTTTCATTGAAGATAGCATCCACATCATCAAGACTTATATCAGCTTGTTCAAAAGTGGG  
CGGCTTATAACCTTTTCTAAACCATTCGTTCTCAATGACCTCTGGAATAGCAATTCTCGTTGAGGGATTGGGAT  
CCAGAATTCTTTTGATAAGTTTCTTTGCGTTTGTAGAGAACCATGGTGGACAAGTGAAGTCAGCCTTGTTGATC  
TGATGATAGAATGAACGTAAACTTAACAGAGAACCATTGAAGAGCATACAATTGAGAACTCAATATATAGT  
TGGGGAACACCATACTGAATTGTTTCTCGTCATAGTTATCTAAAATAGAACTACTCAAGTACTGAGAA  
TCAGAACGAAAGGCAATTAAGTAAAAAATCAGTCATATATATAAATATATAGTTGGACCAATACCTTGAT  
GAACAAATAAATGTAGTTATCAAAGCAATTGTTTATCCTGGATAAGTACTTAACCAATAATAGACGAGTGCAG  
GATTATGAGAGTAAAGAGCAGGTGTCGAGTTATAGGATTCTAATCCATAGTAACCAACTTGTTGAGGTCTAA  
ACCTGAAATTTTCCGAACCTAATTTGCTACCTATTATAGGTCATTTTCATAAAAGCATATTTACCAACAATCCC  
AAACTAAGCATTATCAAAATTAGGGTGTGACTAACTGACTAAGGACAAAACAGATAGGTAAAAGTAGTTTGG  
GTGAATCCTAAAAGTACTTGAGTAAGAGCA

>trans\_c\_3849 AF053886|Prunus serotina (R)-(+)-mandelonitrile lyase isoform MDL5 precursor  
(MDL5) mRNA, complete cds

AGAGGGTGTGGTGTTTGAAGCAAGTTTGAATAATGGTTGGCAATATGCTTTCAGAAATGGTTTGTGGAAGCT  
GGAGTTGGTCCTTATAATGAATTTGATTGAACCATCGTTTAGGGACTAAAATTGGAGGGTCAATTTTGTATAA  
AGAAGGAAATAGACATGGATCTGTGGAGCTTTTGAATAAGGCTCATCCTAATAATCTTAAAGTTGTCGTCCGA  
GCCACAGTAGAGAAAATCATCTTTTCTGGTTTATCAGCTAGAGGGGTTTTATTCAGATTCCAAAGGAAAGTT  
ACACACAGCATCCATCCGCAGAAAAGGAGAAATTATTCTAAGTGCAGGAGCCATTGGAAGTCCTCAACTTCTC  
CTTCTAAGTGGGGTTGGCCAAAATCTCATCTTTCATCCTTAAACTACCTATCGTTCTTCACCAACCACATGTC  
GGCCAATCCATGTCTGACAATCCTCGTTTCACTGTCAATATGGTGCTTCCATATCCATTGGTTATCACAGCCGTA  
AAAGTTGTTGGAACCTTAGATGACAATATCCATCTTCAATCTATCACAGGCTTTTACCATTTTCACTGCCTCCA

TCATTTAGTCTTCTCCTCGTGGATTGATTCCGTCAATTTGAGCTTAGCCACCGTCGTTGGAAAATTCTCTGAG  
GTTCTTTCTGAAGGGTCTTGAAATTGAATCTTCAACTGATGTGAAGAAAAATCCCATTGTTAGATTTAATTAC  
TATTCTCATCCTGATGATCTTGCTAAATGTGTTAGAGGAGTAAGAAAAATGGGAGATTTTCTTAAACTGCAAC  
AATTGAAAAGATAANGATACAAG

>trans\_c\_3850 NM\_100583|Arabidopsis thaliana LSH6 (LIGHT SENSITIVE HYPOCOTYLS 6) (LSH6)  
mRNA, complete cds

ACTTTATTTTCTTCCCCCTTCTTCTCCTCTCTTCTTCTTTTTTAATTTGCCTCTCATGTGAGCCGCCGTC  
GCTGCCGCAGCCGCCGCTGCCCTCGGCCGTGCGACCTCTCCACTTCCACCCCTTCTCCTCCGATTCTTTCTAC  
TCCCCTACTACCCCTCGGCTTCCGTCTCTGTCCGACCACCGCCATTGCTCAGCCGCTACGAGTGCCTCAAACG  
CCGTGACTGGAATAGATTCCGCCAGTACCTGAGAAGCCGCTGTCCGACATTGAGCCTCGCCTGTTGCAGTGGA  
GCGAATGTCGTCGAGTTTCTCTGTTATCTCGACGAACTAGGGCAGAGTAAAATTCATGGCGCCACCTGTCCTA  
ATTTGCGCCAACGTTACCCGGTGGATCCTTACTGCGATTGCCCACTCAACAGCCGTGGACTACTCTCGTTGCT  
CTCATCGGCCGACTCCGTGTCGCGTTTGAGGAAAACGGCGGAAATCCAGTGACGAACCCATTTAACTGTCG  
ACGTCAAAGTTTATCTCAACGATGTTAAGGATTCTCAAGAAAGATCCCGAGGAATTGATCGGTAAGAGAAGG  
GAAGGGATTAAGAATGAAAATTGAATTTGTTCTGCTATATTCGACGCCGAGCTCGGTGGCTATGGCGGATTCT  
GATCAATCATCGACCGAACTGACATGATAAGTTTGATGACTGTGAAGGAGTTCTAGATATATTTGGATTAAAA  
GGATTAGATGACACTCCCAAGAAGAATTTGACTGATAAAAATGCTTAATTTTGGGTTTTTATTTTTTTGTACAA  
ATTAAAAGAACTTTTAGTTGAAAGGG

>trans\_c\_3851 BT002660|Arabidopsis thaliana At1g79260/YUP8H12R\_40 gene, complete cds

AACACCAACACAAACGCGAACGAGTGAAAATAGCGTCAAAACAGCCATAGAAATGGACGGAGAACTGCCGC  
CGGCATCGGCTCCGGCTCCACCGTCCATCCATCCTGCCGTAACACCGCTATCATTCTTACTCGGAACATGGAGA  
GGCAAAGGCGACGGTGGATTCCCTACCATTAAATTCCTTCTTACGGCGAGGAACTTCACTTCTCCATTCCGG  
CAAGCCAGTGATTTCTACAGTCAAAAGACTTGAAACTCGATTCTAAAGAGCCAATGCATGCTGAGAGTGGC  
TATTGGCGTCCCAAGCCCGATGGTACCATTGAGGTAGTCATCGCTCAAAGTACTGGTCTTGTGAAAGTTCAGA  
AAGGAACCTTTAATGCAGAAGAGAAAAGTGATAAAGCTTCAAAGTGAAGTTGTGGGAAATGCTTCTAAGGTGA  
AAGAAATAAGCAGAGTGTTTAAATTGGTGGATGGAGAACTTCTACGTGGTTCAGATGGCTACTGCCTTAAC  
CAGTCTTCAACCACACTTGAAAGCCTTGCTCACTAAAGTTTGACGCAATAAAATAAGGTTAAATCATATAAAAA  
AATATCCTTCTAACCCTTTTATTTATTTTAAATTACTCTTAATACTTCTAAAAGTTTGCAATAGTATCCTTAAAT  
TTCATAAACGTTTTGAAAATATTGTTGGAGTAGAAATTCTTACCATTGCGGCAGAACTAAGATGAAATAATG  
TAGTGTAGGTGGCTTGGAATGAAAATTTGAATCACCACATTGTTAGGTCATAATCATGCAATTCTAAATCCTGA  
TTTTTTGTAGAAAAA

>trans\_c\_3852 AY064216|Capsicum annuum receptor protein kinase-like protein mRNA, complete  
cds

AAATTCTTTCTAAGCTTCGCCATCGCCACCTTGTTTCATTGATTGGCTACTGTGAAGAGAATTGTGAAATGATTC  
TTGTTTATGATTACATGGCTCATGGAACACTGCGAGAACATTTATACAAGACTCACAAGCCACCGTTGTCTTG  
AGGCAAAGGCTCGAAATATGCATTGGAGCTGCCGTTGCTGATTATCTTACACCGGTGCAAAGCATAACCA  
TTATTCATAGAGATGTGAAGACAACCAATATCCTTTTAGACGAAAAGTGGGTGGCAAAGTATCTGATTTTGG  
GTTGTGCAAACTGGTCTACTTTGGATCACACATGTTAGCACTGTTGTGAAAGGTAGTTTCGGATACTTG  
GATCCTGAATACTTTAGGCGACAGCAATTGACCGACAAATCAGATGTTTACTCCTTCGGAGTCGTTCTCTTTGA  
AGTCCTAGGTGCTCGGCCAGCCTGAACCCAACACTCCCAAGGAGCAAGTGAGTTAGCTGAATGGGCTGC  
ACACTGCTACAACAAAGGAATTTTAGATCAGATAATCGACACATTCTTAAAGGGAAGATCGCATCAGAATGT

CTCAAGAAGTTCGCTGAGACAGCAATGAAATGTGTGTCTGATCAGGGAATCGACAGGCCATCGATGGGCGAT  
GTTCTCTGGAATCTAGAGTTTGCATTGCAGCTGCAGGAGAGCGCAGAAGAGAGTGGCAAGGTAGGCAGTGG  
GATGGATGTGGAAGAAGGTCAACTGGATGTAGTTTACAAAGGGAAGAAGGATCCAGATGCTTCCCCCGGCAT  
TGATGGAAACATAACCGACTCAAGAAGCACCGGAATC

>trans\_c\_3853 DQ150259|Vitis pseudoreticulata aldehyde dehydrogenase (ALDH2b) mRNA,  
complete cds

ATTGTATGTGACGATGCTGATGTAGACAAGGCTGTGGAAATGGCACACTTTGCTCTCTTCTCAACCAGGGAC  
AATGTTGCTGTGCTGGTTCTCGTACTTTTGTTCATGAAAAAGTATACGACGAGTTTCTAGAAAAAGCAAGGAA  
CCGAGCTGCAAACCGTGTGTTGGTGATCCTTTCTAGGTGGAATCGAGCAAGGTCCTCAGGTTGATGGCGTA  
CAATTCAAGAAGATATTGAAATATATAAAATATGGGATTGAAGGTGGAGCCACTCTTGAAGCAGGAGGAGAA  
AGGTTTGGTTCCAAGGGCTACTATGTCCAACCAACAGTTTTCTCAAATGTCAAGGATGACATGAAAATTGCAC  
AGGAGGAGATTTTTGGTCCAGTACAAACAATCCTAAAATACAAGGATATGGATGAGGTGATAAGGAGGGCG  
AATGCAAGTCGTTATGGACTGGCTGCAGGTGTGTTTACTCAAAACATCAACACAGCCAACCGGTTGACACGCT  
CGCTGAGAGTCGGGTCAGTATGGATCAATTGCTTTGATATATTTGATGCTGCAGTTCCTTTTGGTGGGTACAA  
GATGAGTGGACATGGGAGAGAAAAAGGGAATTTACAGCCTTAACAATTACCTGCAAGTAAAGGCTGTGGTCA  
TCCTTTGGAAAAACCTGCTTGGCTTTAAGATGGATGAATGGATGAATCCCATTGCATACGTTTCTCCCTTTCTT  
GTTCTTTTTGTTGTTACATTGTCACCAATAAATAGAAGAGTCCAGATTTTCAAGAAATAAATAAAATAGATCCTTT  
CTTGACTTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3854 NM\_104489|Arabidopsis thaliana NOP56 (Arabidopsis homolog of nucleolar protein  
Nop56) (NOP56) mRNA, complete cds

AAGGGGAGAATCTCTTTGCTCTGCTCTTTCATTGGAGGAGAGAAACAGTTCGTCTCTTTCCCATGACGTCCACG  
TATCTTCTCTATGAATCTGCTTCTGGTTATGCTCTGTTTCATGCCCATGGCCTTGACGAAATTGGGCAGAACACC  
GAAGCCGTTAGGAGCTCTGTTTCCGACCTCAACCGCTTCGGCAAGGTCGTGAAGCTAGCTGCTTTTACCCCTT  
TGAGTCGGCTCTCGAAGCTCTCAAACAGTGCAACTCTGTCTCCGAAGGGCTTATGACTGATGAGTTGAGGAGT  
TTTCTGGAAATTAACCTTCCAAAAGCTAAGGAAGGTAAAAAGGCTAAGTTCGTTTTGGGACTAGCTGAACCCA  
AAATTGGGTCAAACATCTTTGAGGAGACTAAAATCCCATGTCAAAGCAACGAGTTTGTCTGGAGCTGCTTCG  
TGGTGTGCGTCTTCACTTTGACAAATTTATCAAAGATCTCAAGCAAGGAGATTTGGAGAAGGCTCAACTTGGT  
CTGGGACACAGTTATAGTAGAGCGAAAGTGAAGTTCAATGTAAACCGTGTGATAACATGGTTATTCAAGCCA  
TCTTCCTTCTTGACACTTTAGACAAAGACGTTAATTCTTCTCCATGAGAGTCAGAGAGTGGTACTCATGGCAT  
TTCCCTGAGTTGGTGAAGATTGTCAGTGACAATTATCTTTATGCTAAACTTGCTAAATTCATTCAAGACAAGTCT  
AAGTTGGCTGAAGATAAAATCCCCAGCTTGACAGACATAATTGGCGATGAAGATAAAGCAAAGGAGATTGTT  
GAAGCAGCCAAAGCCTCCATGGGTCAGGA

>trans\_c\_3855 BT015621|Arabidopsis thaliana At2g32650 mRNA sequence

ATTTTGCTTCGACCTTTCAACTCGTTTTCTTTCATTTCTTCAAATCCGTGGGCAATTTTAAAGACAGTTTTATCC  
ATCTTCTGTACTAGTTTGTGTTGGGCTTCAGCATTCTCTGAAGGTAGCATTATATATTGTTAAGCATGGCGAGT  
ATGCTGGCTGCTCCTACAATGGCCTCATTTTCATGTGAACATAGGGAGCAAAAACTATACAAAGTTGAACTCTA  
CCATCAAGGGATCTCACAGTATAAGGGCTATGCGGATAGAGAAACCTCTTGAGGAATTGTACAATGTAAAAG  
TTGAAAGGAAAGTATCGGAGGAGCGCCTTTCCAGCTTGGAGTTTCGAGATGGTCGGTATGGAAAACAGGAA  
AGTGTAATTTGCCATGGGATTGGCAAGCAGATCAACTGGTATACATTGAGGAAGGTGAAGTGAGAGTGGTTC  
CGGAAGGGAGCAAGCAGTACATGAGTTTTGTGGCTGGAGACCTTGTTTCGGTATCCGAAGTGGTTTGAAGCTG  
ACCTATTTTTCAACGGACCGTATCTAGAGCGGTACAGTTTCAGAGCATATGGTGATGACCACTAGTCCTTCCAT

CCTTTCAGAGCGAAAAAATTCGATTCTTGTTTCTAGAAGGCCATCAGTTCATTTCAGTTAAAAATATATTTTCG  
TTAAACATGTCAAGTCTTGAAATCCTGTGAGAGTTTGATGTTTGGCAGGTAGATTGAAATGGACAACAATGTA  
NGATTATTGCTGAATTGGCGTTTTGCTGGAAATTCTATGCCAACTCCATTGTTGATTCCGCTCTTTCATACAAT  
ATCTTTTGTAATAAAAAATAATATATAAA

>trans\_c\_3856 NM\_001074413|Oryza sativa Japonica Group Os11g0473000 (Os11g0473000)  
mRNA, complete cds

TTCTAAAATACGTCTGCTCAAAAACAAAGGTCCAATTCCATTCTATTCTACTTCTTCTTTCCGGCTGATTCCAA  
CGCCAGAAATATCACAATCTTCCGACACCGAAATTATGAAGATGAATGTTTTAGATTGGCTGGGGATATGA  
CCCATTTGTCCAGTATTTTGGTTTTACTTCTCAAAATCCATACTATCAAGTCTTGTGCTGGCATTCTTTGAAGAC  
TCAAGAACTTTACGCCCTGGTGTATTATCCCGTTATTTGGACATTTTTGACCGATTACATCAATATATAATTT  
GCTAATGAAATTAATATTCTGGCGAGTTCTCTATCCATTGTTTGGTACATGCCACGTCACAAAGCCGTGCGTA  
GGTCATATGATAAGGACCAGGACACGTTTCGCCACCAATTTATCGTGTTGCCTTGCTGTTGTTGGCACTAGTT  
ATTAATCATAAATTACATTTAAAGAGGTAATGTGGACGTTTTCCCTATATCTCGAAGCCGTTGCCATTCTTCCT  
CAATGGTGTGCTACAAAGGACAAGGAATATCGATACTTTAACAGGACAATACGTTTTCTTCTTGGTGCCTA  
CCGTGTGTTGTAATTGCTAAATTGGGGCTATCGCTACTTCACCGAACCTCACTTTGTCCGCTGGATAACTTGA  
TAGCTGGTCTCATGCAAACATTGCTGTATGCCGATTTCTTTACTACTACATCTTAAGCTGGAAGAACAACGTC  
AACTTGAGTTACCAGCTTAACCTAAAGGGATTAGTGTTGGAATCGTGGTACACTTTGGCAGAAAGTGATAAA  
CTTGAAATCTCGCTGCATTT

>trans\_c\_3857 NM\_001055320|Oryza sativa Japonica Group Os03g0120100 (Os03g0120100)  
mRNA, complete cds

ACCCACCGATCGGATGAGATTCATCGATCAGAAATGAATAATACTCACGGGGCAACGAGCTCGGCGGGTAGA  
GTGCAGCAAGGAAATTCGATTCTGCTCACTCCACCCAAGAAATCGAAGAAACCCAAATATTCCAGATTTACAC  
AGCAAGAGCTTCCTGCTTGCAAACCAATTTTAACACCAGGATGGGTTATAACATCCTTCGTTGCTGTTGGCATT  
ATCTTTATCCCATAGGAATTGCTTCCTTATTTGCATCAGAACAAGTTGTTGAAATTGTGGATCAATATGACCAT  
GATTGCCTTCCTTCTCAGTTTCGTGGCGATCCTCTTACGTTTATTAAGACAGCAAACTAATAAACCTGCAG  
CAGGAAGTTGACTGTTCTAAACCAATGAAAGGTCCAGTTTATGTCTATTATCAGCTTGATAACTTCTATCAAA  
ATCACCGACGTTATGTAAAAAGCAGAAGTGATAAACAATTACGAAGCAAGGCGGCTGAGGCACATACAAAAA  
CATGTGCACCAGAAGCAACCATTTGGGAAAGGGGCCCCAATTGTCCCTTGTGGCCTTATTGCATGGAGTTTGT  
CAATGATACATATGGTTTTTCCATGAAGAACAAGGCATTACAAGTTAGCAAGAAGGACATAGCCTGGAAAAGT  
GACCAAGAAAGAAAATTTGGATCTGATGTCTATCTAAAAACTTCAGAGTGGGGGTCTGATCGGTGGTGCA  
AACTTAATGCGAGCATCCCTTGAGCCAGCAAGAGGATCTTATTGTTTGGATGCGAACAGCTGCTCTGCCCA  
CCTTCAGGAACTGTATGGGAAGATAGAAGCAG

>trans\_c\_3858 BT006266|Arabidopsis thaliana At3g51610 mRNA, complete cds

AAACCTGTTCTTCCAACCATTCAGAAAATTACCTTCGACGATGCCAAATCCTCCAATTCTATCTCTCCTCCTTCC  
TTATTGTCCCTCGTTCCCATTTCTTGCTTACAGGCCTGGAGACATCGTTCCCATGAGCAAGATGGGACAGTA  
TCACTCGTCGAGAACGGTTTGGCACGATATGATAGGTCGCCATTGTCCAATTTTTGGCGTCAATCGCGAGGTT  
TTAGTTCCTATACCGAAACCGGTCGGCTACACAGGAGCTGATCCCTATAAAATATCCTTTCAAGTTGGAAAAG  
AGAAGTTTCTAGTCCCATGGCTTCTTGATGATAATCGAAAAAGTGCCGAAGTTCCAATGATTGATGTCCACTTG  
AGGTATTCTGGAAGTGATCTTCATGGTGTGACTGCCAAAGTAGTGGACATGCCTCATATCTACACTGACACAC  
ATCCACATATTACCAAACAATTCTGGGATCAACAACATTGGCCGAAGCACATCCTTGCCGTTATACATGGGAG  
GAGCAATCGGAGATTGATGTGACTTCTGGATTATATGTTTTGTTCCGATCAGGTCTTACGCTATCTTTTATTCTG

TCGATTTACATCTTGCAATCATCGAAGGACAAGTTAGCAAGGTTTGTAAGAGAAACAGTAGTTGAAAGCAGCA  
TTCCTGGCGTGGGAGTGGCAAAAGTGGAATAGAGAGTAGTGGAGGGAGTTGAGGGAAACACTTGCATAATA  
TTAAGCTGGACGTTGGGCGTTACCCATTCAAATTTGAAGCTGATATGCTATTATGTCCTTCAGAGGGTAAAAA  
AGNCGTATGCAAGTTGCACATTTCTTT

>trans\_c\_3859 NM\_102297|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT1G24530) mRNA, complete cds

ACCATTTCTTCATCTTCCCTCTTTCTCTCTTCTCGCTCTTCTCGCCGGCATGAGGGTCCGATCATGGCTACTC  
CCCTGCTCCACCGCCGCCGCCACTTCCGCAGCCGAACCCAATAATATTAATCCCTTCAATCCTCCTCTCTTA  
ATTTCCGACGCTAGCAGCTTTTCCGACACGTCGGCCAACTCTTCTCCTCATCCACTCCTAGTTCGACACGAGC  
TGTTCCAGTCTCCAAGCAATCTCTCCCTTCAATCCCTTCCCTCCATTCCATCTCTACAGAAACTCCCCATCGCCT  
CCGATTCTTCCACGTTACTCTTTCTCAATTCCCCGTCGCCTCTTTTAAACTCCCAATCTCCCATCTTGCCGTCCAT  
GGTCCTTACCTCTACGTCGCCACTGCTCACGAAATCAACGTCTACGATCGACTCACTTTTCTCATGTCACTGGA  
TTCAACGCTCGAGATTCTTCTCTGGCTCCGTTAAGGGATTGCGCTTCTCCGCCGCGAAATCCTCACTTCTCAC  
CAAGACGGAAAAATCCGAGTCTGGAATTTACTTGATAAGAAGAACAATCAATTCAAATTAGTCAACACTCTCC  
CTACAGTCAACGACCGTCTTCGCCGATTATACTCCCGAAGAATTACGTCAACGTCCGTCGTCACAAGAACTT  
CTCTGGATTCAACACGCCGACGCCGTCACCGGACTCGCCGTAAACAACGATTCCATTTACTCTGTTTCTTGGA  
TCGGAGTTTGAAAATCTGGCGAGGCTCCGACCACCGTTGCATCGAGTCGGTGAAAGCGGCTCACGAAGACGC  
CATCAACGCGGTAGCT

>trans\_c\_3860 NM\_001053094|Oryza sativa Japonica Group Os02g0281000 (Os02g0281000)  
mRNA, complete cds

ACTTTTTAGCACCTGAGATAGTTCAAGGCAATGGTCATGGCTTTGCTGCTGACTGGTGGGCATTAGGAGTCCT  
AATCCATTTTCATGCTGAAATGTGAAATGCCATTTGGATCATGGCGACAAAGCGAGCTTGATACTTTTTGAAG  
ATTGCAAAAGGTCAACTAAGTCTTCCCCAGATTTTCAAGTCTGAAGCAATTGATCTCATCCAAGTTACTTGA  
AGTCGATGAGAAGAAAAGACTTGGAACGAGAACCAAAACGCTGTTAGAAGTCATACATGGTTTGATGGCGT  
TGATTGGAAGGGGATCCGTGAGGGTACCTTTCCCGTTCTGAAACAATAACTTCTCGTGTAGCTCAATATTTG  
GAGAGCTACCCTGAAAATTGCAGTGCTTCGTTAACTAAACCACCTCAAGATCTTGAAGAACAGGACGTCCCTG  
AGTGGATCAACGACTGGTAGAAGTACAGCACCAACAAAACCTTTCCATCAAAGTATGTACGCAGGCTCTTCCCA  
GGTGGAGTCTGTCTTCTGCTGATTGGTTCATGTGGTTTTCTGAGACACGAATCGATAATTTAGAAAATGGTTG  
GATATAATGCAAGTTGCATTGTATCAAGTCCATATTAAGATTAGGTTGGTGAATAGATCATATGTCTCCCATTT  
TTGTCTGTTGAAATTTGATTCCTTGCGAATACAAAGTAGGTATATATATGTAATGAAGTAGAGTTTCATTTTT  
GCTCTACAGTCAAATTGTTACTCATCTTGTGAAACCTTCTATTAATGGTTGCTGATAATAAATCAAAATCTTCT  
CTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3861 BT029737|Arabidopsis thaliana At5g17640 mRNA, complete cds

GGTCTTTCAAAAAAAAAAAAATTCACCTCAATTTATCGCTTATTTCTCTGTTTTGTTCTTGTCTTCTGCAA  
ATCAAAAGGGGTTGGTAGTATTACCCCGTACCCATCTCTTCTTATTTCGAATTAATTCAACTGTTTGGTTTTT  
GAGAAAATTAACAAAACACCCTTTCTCTTCTTCTCCCTTAAATTTCTCCGTCTATTTCTGACAAATAATGCA  
GATTTAGAGAGGGGAAAAAGGGTTATTATAAATTTCTTCCCGATTTCAAGTGAAGAGAGGGGAAATAG  
GGAGTTTCTTTCTGGGTTTGGTTATTTCCGGGTTTGTGAGGCAATCTCGTGATCTGTGAAGTCTTCTCTAC  
GTGACATTCAAGACTTTTCTGCTATGGGGATTGGGGTTTGTCTTTTTTAATAGCTTCTTGTAGATCTCTAAG  
AACATTCATCCTATCACATTTAGAGAGAAATTTAGAGGGAAAGTGAGGGGGAAGTGGGATTATTTGAGTTTG  
GGGGAAATGTTGCTGTTTTTCTTCTCAGGAATTTCCGGCTGCTTCGCCTTTTGTGGAGCATTGCAGTACTGTTTC

TACCTGGCAACTAATCACAAGAAGTGAATAGGGAAGCAAAAAGAAAAAAGTGGACCGATCAAATATCAATT  
CTTTAGGATTGAGACGATTGTCTATATAAGGACACTTGAGCTTGTGAAATATTAATGATCTATCAAATGGACA  
AAAAATTGTGACCGGAATGGATCCTCAGGCGTTTATTAGGTTGTCAATTGGATCATTGGGATTGAGAATCCCA  
GGAATTCTCTAACTCTACAA

>trans\_c\_3862 NM\_001060820|Oryza sativa Japonica Group Os04g0680300 (Os04g0680300)  
mRNA, complete cds

AGCTTGAGGATAAATTTACCAGAACGAGTGGTTGGGTTATATAATATTTTTGACTTTTTGGGTTAATTTGGGA  
AAGTTTCGGAAATGATCAGAATAAGAAAAAGAAAATTAAGAGAAAACAAAAGCAAATCGCATATTCGTTCC  
TTTTGGGCTCATCTCAGCATTACAAAGAAGAAAACAATCGGCAGGGAGCGTTGAAGATTGAAGGAGGCTG  
TGTATTATATGATGATACCGCAACAATGGGCGTCTCCTTGTGGCAACCAATGCACGCAGAAATACGCGGCCCT  
CACCCACATTCCCTGGCGGGTATTTTGCTAAAAGGGGTGTGATGCAGATGGGGAAGCCTGGGACGAATGCTT  
GGAAGAATGCACTGAGATATGCTATAAGGATCCTGTATTTAAGAACCACAGTGGAGTGCTTACATTGACCCA  
TCTCCTGGGACTGCCAGTTACTCAAAGGAATGTTTCCATGCATGTGTATCTGGTTGCGGCTTTAAGTTTGAGGT  
TGAACCAGACAAAGCTGACAAAATCCAACCAACAGACCTGCAAAACCAGCACCTGTTGTTTCGAAACCTCC  
CCACAACCTCCAATCACTGAATCAATTGCCAAAATGAAGACTTGCCAAGCACTTCTGCATAGCAACACACAAT  
GCCAATAAACAAAGGCTTACGTCTCCCGTTGCTATGTTTCCCCCGCGGGCTTCATATTCTGTTGGATTATAAAT  
TATGACAGTCACTTGTAAGTTTAGTCCTTCCTTGCTGTAAAAGGACTTAGGTCTCTGACATAGATATTTTCCT  
ATATGCTGAGAGTTGCTAATTGCCCCGCTT

>trans\_c\_3863 BT024592|Arabidopsis thaliana At2g27290 mRNA, complete cds

TTGATTTTGTGGGATCCTTGTTTTCTCTCTAAACCCAACTCTCAATTCAGAGCCTATGTCTTGAGATCCCGACC  
TTTGATTTTCTGATAATGGCAACTGCTTCTTCTCTAATTGCCTTTTCATCTTTTCCAACTTTCTTTACTCACCC  
AAATTTTCAGATTTCAATTTCAATTTTCTAACCACCTCTCAAATTCAACTCCAAACCTTTTCAAGGTCCAAGCCCTT  
AAACAGAAAACCGGCGAAATCGATCGCCATCTCCATCTTCTTCTGTCAGATGAAGTTACCAAGAAGTA  
CGGACTTGAAGCTGGTCTTTGGAAGATATTTAGCTCTAAGGAGGAGGGTGAAGGGACAAACAAATCAAAGG  
GTGATCAAGCAAAAGAGTTGCTAGCGAAATATGGGGGTGCATATTTAGCCACCTCCATAACTCTATCCTTGAT  
CTCTTCTCTCTATGTTATGCGCTCATCAGTGCCGGTGTGACGTTCAAGCTCTTCTGCAGAAGGTAGGAATTT  
CAACTGATGAGACAGGAGGGAAAGTTGGAACATTTGCTTTGGCATATGCAGCACATAAAGCTGCTTCTCCGAT  
AAGGTTTCTCCAACAGTGGCTCTCACTCCAATTGTTGCAAGTTGGATTGGGAAGAAAGTTGAGAAAGAGAAT  
TAGTATAATGTCTTACTTTGAGACTACAAAGTTATTCGTTAGAGTTCTTATCTAAAATTACTTGATAGTGTATAT  
TGGGTTTAATTTAATCCATGTAGATTGTATACTAATGAGTTATAATGTACACGTCCTTTTGAIAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3864 NM\_112626|Arabidopsis thaliana RPL3P (RIBOSOMAL PROTEIN L3 PLASTID);  
structural constituent of ribosome (RPL3P) mRNA, complete cds

TCCTTTAACTGCATCAGTTGCATAACACAAGAGAGGAAGACAATGAAATTCCACGCTCTCCGAGATCGAAAT  
CAACCCTAAAATTTGAATCAGACCATTCTTCTTCCATCTGATTTTTCCAACCTTCGCATCATAATCGTTGTGATT  
GGTCTCACCATGTCAGCTTTATCTAGAGGTCTATTTCTCGTCTTCGTTCTCTCGATCAATCCGGCGCTTCT  
CATTCAGTTACTTCTTCTTATTCTTCTTCTCGAGGACAAATGCGTCTTGTTACTACTTCTTCCGTGCTTTCAG  
TACTCAGGATTTGACTCAGGCTAGCGATGGGTCTTGCCAGCTTCTCGATTATTGAAGCTAAACCCGGTACTA  
TGAGCAGTAACTCTAGGCGGACGGGTGTTATTGCCGTCAAGTGTGGAATGTCGGCGTTGTGGGATAAATGGG  
GAGCTAGGATACCCATCACTGTGCTCCGGGTGATGATAATATTGTGTCTCAGGTCAAGACTATTGAGAAAGA  
AGGTATCACAGCTTTACAGATTGGCTGTGGACAGAAGAAGGAAAAACATTTGAGTAAACCTGAATTAGGCCA

TTTtagggctcaaggtgttccattgaaaaggaaactgaaggagttccaaggtgcacaagatgcaacttcttcca  
gttggtagacagaaattggcgcccgccattttgttcctggacagtatgttgatgtgacaggaataagtagaagg  
gaaaggttttcagggagtgatgaaaaggcatggtttcaaaggaatgccagcatctcacggagcatcattatc  
tcatanggagcgggtggttctacgggtc

>trans\_c\_3865 NM\_118522|Arabidopsis thaliana nucleoside diphosphate kinase 4 (NDK4)  
(AT4G23900) mRNA, complete cds

AAAGAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGGGATAGGAAACTCATCAGTTTTCTCCGTAGATCCATTTCTCTGCATTGCTT  
GTGTAGCTAACCAATTCCTCTGGCTTGAACCACAAGTTGATCTCGTCTTTTGCAGTCTCTGGCCCATCGCTTCCA  
TGGATGATGTTCTGCCAACTACAACAGCTAGATCTCCTCGAATGGTACCGGGCTCAGATTTCTGTGGATCTGT  
TGCTCCAATAAGTTTTCTGCCATATCTGATCACTCCCTCGCATTCCCAAACCATGCAATGACGGGGGCCAGAGC  
TAAGAAATTCGCAGAGGCCATTAAAGAAGGGTCTTTCCTTCAGATCGTGATAATGCTTCTGAGCAAATTCCTTT  
GATGGGACAACAACTTTAATGCCTACGAGTTTAAACCCCTTTCCTCTCGAAACGGGATATGATTTCTGATATCAG  
CCCTCTCTGTACACCATCTGGCTTGATGGCTATAAACGTGCGCTCAAACCTCTGCGGCATGTGCTTCTGCTCCT  
GAAGCATGTAACTCCAGCAGGAAGCGCAAGCAGTCCTGAAATCCATTCTCTAGATGCATATCCAGAACCAGC  
ATTCTTATAGATTGAAGCAAGAGAAGGCAACCTTTCTCTTAGCGATACTGTTGCTGCGGAAGCCGCGGCTCTG  
CCTCCAGTGGAATAAGCGCGAGAGGAGCGGGAAGCAGTGAGGATGGACCTGGCGGCTCCGGAATAGATCT  
GCAGATCTTGAACTCATATCGAAGAACAGTGAGGGGAAATTTGGTAGGGGAAGAGAAGAAGAGTTGGTTG  
TTGCGTTGAGTTGAGTCGAGAGAGCTGAAGT

>trans\_c\_3866 AY108677|Zea mays PCO101632 mRNA sequence

ATTGATTGCGTGGCTGACTTCCTGTGGAACCGAGCTCTTCCAATGGAGTCGTCGTCTTCCTCGTTTCCATCTTTC  
GAGTATTCTCTTCTCATTGGGATTATCTCGACCTATACATACTACGTCCGATCCTCGCAATTCTGTTCACTTTCT  
CCTTGATTTCTCTCGGTTGGTTTTTGGCGTGGAAGCTTGTTCTCGTTCACGTCCCTCTGGTGCAGGAAATTTTGG  
GTCTACGTAAGAAACCTGCCAAGTCAAACCTCCGACGCGCAGACTATCGAAGTTTTATGATAGTCTGAATTC  
CCAAACTTCGGCTTCTGGCTGATGTTTGAGCTTGAGAGCCATCTTAAATGAATTGCAGAACTTAAACTAGGG  
AAGGAAAGCAGTTCTACTGGCCAATTGTTTGTGAGGACAAATTGAAAAGGTCCCGTTTCAAGCTTGAGATATG  
TATAGCTCATAGTGAAAGTTTGTTCAACATTTTTTTAAATAGAAATGCACGTTTTCTGGTGGGATGACATTCT  
GACAGAAAATTGGATTAATTACCTATGTCAAACAATATATATGGTTCCAAGTTTGTTGCGATGACTTTTTTCAGG  
TACTTAGAAATATAAAACAATTGATTACATTTTTTAAGCATTTGGAAAGTCGTTCTAAACAGATTTTTTTGACACC  
AAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACCAACATGTATGATCTCGCATAGTAAACTTATGGAACATGAGTAGTATTTTCACTCT  
ATTCATAATCGTGGTGATGTATTG

>trans\_c\_3867 NM\_125799|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT5G64030) mRNA, complete cds

TCGATAAAAGAGAAAAAAAAAGAAGGGAATATGATTACAAAATTAATCATGTAATTAAATTAAACTAATTTTTAA  
TTAATTAAATTCCACCAGCTACAAATCTTCTTCTCTTCTTTTAAATCTCCTCTCCCCCTTCATTTGCTCG  
ACCATTACATTTTCATCCTCTCTGCCGGAGAAAAATGGAGGAATAGTTTCAATCCCCTTTTTCTGCTTTCTTTTCTA  
GATCTGTTCTTTTCTAGGTACAAACTCGTTAGGATTTAACGTTACAAACAGAAATGGCATTGGGGAAGTATTG  
AGAGTAGATAATCGAAGGTCCTCGTCGAGTTATTGCTCAACAGTGACCATTGTTGTATTCGTTGCTTTGTGTTT  
GGTTGGAATATGGATGTTAACGTCATCATCTGTAGTTCCGGTTCAGAATATTGATGTGCCACAGGAGAACAAA  
AATCCGGCAAAAAGTCAAGTGATCGAGACCAATGAGGGCAAAACTCAGCCTTTTGAAGATAATCCAGGAGAT  
TTGCCTGATGATGCAAGGAAAGGGGACGACAATGAAGGTTCTAATCAGCAGGAAAATCAGGAAGAGAAGCC



TGAAGAGAAACCCGAGGAGAAGCCAGAAGAGAAGCCGGAAGAGAAACCGGAAGAGAAGCCTGAAGAGAA  
GCCTGAAGAGAAGCTTGAAGAGAAGCCCGAAGAACAGAATGAGGACAAGAACGGAGGGAATGAGGAACT  
AAACCAGATGATGGAAGAACAACAGAAGATGGTGAATCAAAGGAGGAAAATGCAGAACAAAGGTTCTGAATC  
TAAGTCCGAGGGTGGTGACAATGAGCGACCCCCTGT

>trans\_c\_3868 AJ698938|Populus tremula x Populus tremuloides mRNA for monosaccharide  
transporter (tMST2.2 gene), strain T 89

ATCTTTTGCTTTTCAGTTCTCTATATATTTTCCATATCTTCCCTAGCTTCCTCTTTCTTTCATTATTCATTTCATTTT  
TGATTTGCTCATTGTTTGAATTTTGTTCTGTGAAAATGCCTGCTGTGGCTGCAATCGTCTCCGGTGATACCAAAA  
AGGAGTATCCCGGAAATCTTACTCCCTTTGTTACCGTAACATGCATTGTCGCTGCTATGGGCGGCTTGATTTTC  
GGTTACGATATTGGAATTCAGGTGGTGTGACGTCCATGGACTCGTTTCTGGAGAAGTTTTTCCGGATGTGT  
ACCGGAAAAAGAATTTGATGGCAACCAAAAACCAATACTGTAAATACGATAGTCCAACCTTTGACGATGTTTAC  
GTCGTCGTTATACTTAGCTGCGCTGCTTGCCTCACTCGTAGCCTCGACGGTGACACGTAAGTTCGGTCGTAGG  
CTGTCGATGCTCTTCGGCGGCGTTTTGTTCTGTATTGGTGCCATCATTAAATGGCTTTGCTAAAGCCGTTTGAT  
GCTCATTCTTGGTCGCGTTTTGCTTGGTTTTGGTATTGGATTTACAAATCAGTCGGTACCACTATACTTGTCTGGA  
AATGGCTCCATACAGATTCAGGGGAGCATTGAACATTGGGTTTCAATTATCGGTGACGGTTGGTATTCTAATA  
GCCAATGTTCTAAATTACTTCTTCGCAAAGATAAAGGGCGGTTGGGGGATGGTGTCTGAGCTTGGGTGGAGC  
CATGGTTCCGGCCTTAATAATCACCATTGGATCATTGGTTCTTCCAGATACCCCAAATTCATGATCGAGCTCTC  
GGTTTAGCTATCCTTGTTTTGA

>trans\_c\_3869 AY049013|Litchi chinensis profilin mRNA, complete cds

ATTTCTTCCAAGTCTGAGAACCAATCAACTCACAACCAAAACATACAAACGGAAATTACAGACTCTAACTTTTTT  
GTTCAATTCATTAAGTTCGTTTCATATTGAAAATGTCTTGGAATCTTACATTGACGATCAGTTGATGTATGAGGT  
TGATGGCCAACATCTCAAAGCCGCTGCTATAATCGGTAACGACGGTTCTGTTTGGGCTCAGAGCTCCGGTTTC  
CCTCAGTACAAGCCAGAAGAGATTTCTGCCATTATGAAGGATTTTGATGAGCCTGGATCTCTTGCCCCGACTG  
GGTTGCACCTAGGTGGATCAAAGTACATGGTTATTCAGGGAGAATCTGGAGCTGTTATCCGTGGAAAGAAGG  
GCACTTCTGGGATAACTGTAAAGAAAACAACCCAAGCACTGATTTTTGGTTTATATGATGAACCCATGACTCCA  
GGACAGTGCAACGTGATTGTTGAGAAGTTGGGAGATTACCTGATTGATCAAGGCCTCTAAGTTCTTCTTCTATT  
CTATACATAATTGGGATTTTTGAACTGGTGTCTGCTTTTATGGCTGTGAACTGTTTCCTTAGAGAAAATAACAG  
TGTGAAGAATCAGGATGAAAAAGCAAGAGTGTGGTGATTTTGGTCGATGATTTCTACCCATTCTATGTATTCTT  
GGCTTCTTTTTTCCCCCTTCTTTTGTGTATTATAAATACACGGCTTCAAATATGAATTTATGAAAGCATTACA  
CGTATGAGATTGTAATTATATATTGTTATTTTGGTTTTTAATATAAGTATTAATAAGTTGTGATGAACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3870 AL161472|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 2

ATCGCGATTTCTCCTCCGTTGAGCAATTGATTACAAATTGAGAGGTGGAATTGATACAAAAATGGTGAATCA  
GCGAACAGACAAGTTGCTGAGAAGAACAACCTATGGTGGCCACTGTCACTGCTTCATACTTTCTTTTAACCGCC  
GATTATGGTCCTCAGCCCAATTTTCTCGATCCTGTCAAAAAGATTATACTGTGAGCAGAAAGTTGATAAAGGG  
CTTCATCTTTGGATCAAATAATCAATCTCAAGAAGGTCAAAGAGAGAAGCTCGGCTCAAATGGCGTCAAGGAC  
AATGCATGATAAGTAGACTTCAAGGACTTGGTTACGAATTTATGTATATATATCTTGAATCTGCAGTTTTTTGTT  
ATACATTTCTAAAGCTTAGGTTGATATCAAGCGTGGGTAAACCTTTTGGAGGAGTAAATAATGCAGTTTGT  
TAGACTTTAAGATGTTTAAGGAATTGGTTCTGACCAAACCCATTTAGCATATTAACCTCAGAGATTCAAATTAG  
TTGAAGCATATTCTGGATCGGTGTAGGGTCTCCACATCAGTACCCTTCTAAAAATAAGGTCAAATCTATCTG  
ACATTAGTATGGGATTCACTATTTAGGAAGCAACTCTTATCGTGAGAACAAAGAGGAGGGTATGGTAACTCC

GTGAAAGTGGAATGCTTGCTGAGATGGATTCTCTCTCCATTTCTGTTGTCTACTAATTCTTGTTGGAGTGAGAA  
TTCGAACAATANGAGGAAGTGTGATATTTATTTAATTGCCAACCTGATATGCTCATCGACCATAATTTGTTTTA  
TATGATTTCTGGGAATGTGAAATTTT

>trans\_c\_3871 NM\_001054620|Oryza sativa Japonica Group Os02g0741900 (Os02g0741900)  
mRNA, partial cds

ATAGCGAGGAAGAAGGAAGGGGAGAAAATGGCACTGGACGGTAGCGGCAATGGAGATGACTTCTCTGTAG  
GATCTTTCTTCTCCATTAAGACCACCTTAGGAGATGAATTTCAAGGACAAGTCATTACCTTTGACCGCCCTCCA  
ACATCCTCGTCTTCATATCCTTCTCCATTTCTAATTTTCTTTTGTCTTTCTTTTCTTGAATTCCTTGACTG  
TCTCTTCTTCTGTTGTTATTTTTGTGATTTGATACAGGAGGGTTCTAAGCCAGGACCTCGTAGGAACATAAGG  
CTGCTGAGGGCCAATTATATTAAGGAATTTTCGTTTTGGGACATGGCGAAGATCCTCTTGATCTCAAAAACCTG  
TTACCTCGATCTCAATACTCTCCGTGCCCCGAGAAGAACTAGCTATTAGGCAAGCTGAGGCCGAAGCGGAGAG  
GATAGNGAGTGGGTGTCTACTAGCGAGGCTCAAAGTATTTTTGATGCCCTATCTAAAACGCTTCCTGTTCTGTTG  
GGACAAGACTGTCATAGTTGTAATGAATGAAGTACGTGTTAACAGTCCTTACCTACCAGACTCTGTTCCGGA  
GGCACCCCTGCTGCCAATGAGCGTGCGAAGAAAGTGCTTGAATTGGAGAGGAAGCGATTACAAGTTCGTGGT  
GGTCAGTGATGGTTATTCATCCCTATCCTTCTTTCTGGGTGACAAGCTAATTGAGCTAAGGTATAACCCCGGC  
ATCTCAGTGTCAGCAATCCCAAGGAATTTGGGTGTTTGAGTGGTAACTAGTTGAATTTTGGTGGTTTGAGT  
GGTAACCTAGTTTGAATTTAGTGTTTGCC

>trans\_c\_3872 NM\_001123792|Arabidopsis thaliana sodium symporter-related (AT1G10830)  
mRNA, complete cds

AATTACCTCAGATTCCCTTCCGTTTTCCATTCTCAATTCCTGATTTGCCTTCTCCCTCACTTCCACTCACGGACT  
ACCTCACTATTCTGTGTTCTATGGCGGTTGCCTCCGCCACTCCCCCTTTTCCCCTCCATACCTCTCTCCCCTC  
GCCATCGCCGCCCTGATGCAATTTCTTACGACCCTTTTCAATTTGGCCCCCAATTGCCTTCTGCAACTTCCCCT  
TTCCCTCAATTCCTTACACATTTTCCGACGTCTCGATTTGCCGCCGAGGCTTCTATTGGAGACAGGGAGAGTG  
GTGGGTGACCTCTGTCTCCGACGACGAGGGCCTTGTCGGCGAGGACGCTGCTGTTTTGATCTTTCCGAGCA  
GAAATTAACCTCGTGGGTTTATTTCACTGTGATTTTGGGGGTTGTTTTGTTCTGTTGAATGTTGTTGGATTG  
ATAACTCTGCTGGGGGTGTTGGGAAGGCCTTCTGGATGCTGTTTCTGGAATTCGGATAGTCATGAGGTTGT  
GATGTTGCTCCTCACACTCATTTTTGCCATTGTCCATAGTGGTTGGCCAGTCTCCGAGATCAGGGCGAGAAGC  
TTGTTGGGGAACGAGCTTTTCCGGTTTTGTTGCTGGAGTTTCTTGCCATTGGCTGTTAGCACTGTGGTGTAT  
TTCATTAACCATCGATACGATGGAGTACAGTTATGGCAGCTCCAAAGCGTTCGCGACTGCATCAACTGTGT  
GGCTCAGCTCGTTTGTCTCTCTTCTTCTCTATCCTTCAACTTTTAATCTGCTGGAGGTTGCAGCAGTTGATAA  
ACCAAAAATGCACCTT

>trans\_c\_3873 DQ251455|Cucurbita pepo patellin 1 (PATL1) mRNA, complete cds

TCCTCTTCTCGTACCATGGAATTTTCTTCCAAGCCGGATGCCTTCGATCCCCACCTATCCGTTTTCCGTTCAAA  
ACCGATCCTTATCAAGTTAGCCACCGACGCTCCCGTTCCACTTCTTTGCTTCATTCCGGCCGGCACCGATTTTC  
CCACTCTCTTCGTTTTCATTTTCTGCGCTACTTTACCCCTTCATCTGTGCCATAGACCTCTGCAGCCGTTCTTTAA  
CGCTCTCCTTCCCTTCCAACCTCGTTTCACTTCCATTTATTTCTACACCTTAAGTTTGATGGAAGATCGGATCC  
CGATGGTTCTACCCCTTGTGGACCCCCACCATTTAGCACTCAGGAAGAAAATCCCCCGCCGCTCCTGTTGGA  
TCTTTGTGCGCGGTGGCTGATTCTCCTATTCTAACCGAGAAGGAGACCATTTACCATCAGAACCTGTTCTGAA  
GTCTGTACCTCTGTCTACTGCTGAGAACGAAGTGGTTTCGTTACCTCCTCCGGCAGCAGTGGTGGAGAAAGAA  
GAGCCACTGCAGCCACCACCTCGATCAATAGAAGTACTCTGTTGCTGTTGAATCTACTAAATGCAATGCAAT  
CGAGGAGCAGAAGATTCCTCAGACTTCGGTTTCTTTCAAGGAAGAAAGTAACCGAGTGGCTGATCTTGCAGA

ATCGGAGAGGAAAGCTCTTCAGGAGCTCAGGCAACTCGTTGAAGAAGGTACGAAGAACCAGGCATTCCAATT  
TGAAACCACGCCTCCCAGTCCACCACCAGAAAATTCAAACTAGAGGAAAATCGAGAGAAGGAAGTCCAGGG  
GGCAACTCAAATTCATGTTTGC

>trans\_c\_3874 NM\_119855|Arabidopsis thaliana LEJ2 (LOSS OF THE TIMING OF ET AND JA  
BIOSYNTHESIS 2) (LEJ2) mRNA, complete cds

TCACTGTTTCGTTATCTTCTACTGCAAAATCCCAGTCTCCTCGTTTGAGTTTCACGAACCTTGGCGAGTGTGAAG  
GGGTTTTAATTTGTTTCGTCAAGGTTCTCCCATGGAGTCGATTGTTTGTAGTTTGAGTTCTTTATCGTTGGCTCA  
TTTCAGGGCGAAGAGTTTTTCGGTTCAGGAGATGTTATTTGGTCCTTGCCGGAGACTTTCATTGCCGATACTTC  
ATGCATCGGTGGCTCAGAGCTTTCCCGAGCTTCGAAAATCTACTTCTCTTGCTGCTAGTGGTACCTTGATGGCC  
AATTCGGTCCCGTCTGGGACAGGTGTATACACAGTTGGTGACTTTATGACTAGGAAAGAGGAGTTGCATGTTG  
TGAAGCCCACAACCAAGTGTGATGAAGCATTAGAAATTCTGGTGGAGAAAAGGATCACAGGATTTCCAGTTAT  
TGATGACAATTGGAATTGGTTGGTGTAGTTTCTGACTATGACTTGTTAGCACTAGATTCCATCTCAGGTGGTG  
GAAGGACAGATACAAGCATGTTTCCTGAAGTTGACAGCTCGTGGAAGTATGCAATGACCTCTTTTTCTGTA  
TTTTTTGTAGTTTTTTTATTTACATCCTTTGCCATCAGTGTTCTGATGACCTTCTTTGTGCAATAATTTATCA  
TGAGCGTTAAATGAAATAAAAACTTAATACTTTATAAAAAGAAATTACATAAAGTAGAAGTTACTGTATTAAT  
CGCTCAAGCCTTTCAATTTTACAAGACCATACGCAGATCAGGTTAGCAAGAAGCATAAATTTAAGTTTACTGG  
GCTAATATTTTCATCTTCATGCA

>trans\_c\_3875 EU912423|Glycine max serine hydroxymethyltransferase 5 mRNA, complete cds

GGGGTATTTGGCAGGGTATTGATGGTTCAGAGTCGAGAAGGTTTTGGAATCGGTTTCATATTGCAGCAAATA  
AGAACACAGTTCAGGAGACGTGTCTGCCATGGTTCCTGGTGGCATCCGTATGGGGACCCCTGCTCTGACTTC  
GAGAGGTTTCTCGAAGCAGATTTTGTGAAAGTTGCTGAATCTTTGATGAAACTGTGAAGTTAGCCTTGAAG  
ATTAAGGGTGGTAGCGAAGGTAAGTTGAAGGATTTCTGATCAACCATGCAATCAAATAAAGATTTCCAA  
GCTGAAATTTCAAAGCTCCGACATCAGGTTGAGGAGTATGCCAAGCAATTTCCAACAATAGGATTTGAGAAA  
AGACAATGAGATACAGAGACTGAAGAACGGATTTTTAAGGTTGCTGGCAATGTTTGGCTGCTGATTCGGGTT  
GTTTAATTCTGCTTCTGCAGAAAACTTCGTCAGACCAAAGTTGCTGAGTGAGATCGTCTCTAGCAAATGTCCT  
TTGAAAATGATGGCAAACCAACCACAGAAATTTAAACGTTTCTTCTAAATAAATGTTGTAAGGGCAGATTCTT  
TGGACTTTCAATTATAAATGTGACATTATATTCTCATAATCTTTGCCAATTTGATTTATAGATTATTAGCTTTG  
AATCGTAATGTTATATCTTAATGTAAACAGAATGTTTCCACTTCATAAGTACTTTGTGTAATACCACCTTACAAT  
GCACGTGTATCCTTCTCTTAATATTTTCTTATAATATTATTTCAATTTACTTGATTTGAAAAAAAAAAAAAACGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3876 BT009688|Arabidopsis thaliana At5g46840 mRNA, complete cds

GTGCGAATCCGAGACGGAATAGCCCTAGCCTGCTCTCTAAATTTTCATCTTCTTCTTCTTCTTCTCGTCAATCCA  
TTCAATCCAATCCCACCGATTCTCAAGAACTGATGGGGAAGAACAATCACTGACCTCAAAAACCCCTT  
GACGAAATCCCCACTGTTGCTACTCCCTTCAGCGTTTTGATACACTCTTCGGCAGCGCCGGTGTGAAAACCC  
CTCCGTTTCTATCTTCTCCAGTGACAACCTTTTCGTAGGAAAGATTGAGATTCTATTTCTCCTCCACTTGCTGAA  
AACAGTAGGACGAAGGGCAAGGAGAAAAGGTTGGTATTGATTTGGACTCTACTGAAGGTGTTAAACTTCG  
TCGGAGATTAAAAAATCTAAGAAGAAGGAGAAGGAGAAGTCTCGGGACCGCAATTGGATAATGTAGATGA  
TGATGGAGAAAGGGGTTTGAATCGCAAGGGGGATTGAAGGATAATAGGAAGAAAGGAACGGCTTTGGGCT  
CTGAAACTTCAGAAAAGAGTCGTGGTTTTGACAGGAGTAACTCGGTGAGAATGTGAAATTGATGAAAGAGA  
GGAAGAAGAGGAAGAGAGATGAACTTGAGAGGGAGTATGAAGCCAAAAGTATGGCGTATCAGATGTAGCT  
GAAGATGAAGTGGAAGGTTGAGGGGGGAATGTTGTTGGGAAGAAGAGGAAAGCATTGGATGATCCTTCAGA

GATGTTGGTTACAAAGGAAGGATTTGATGATGAAAGTAAGCTTTTGAGAACTGTTTTTGTGGGAACTTGCCA  
TTGAAAGTGAAGAAAAAAGCTTTAGCCAAGGAGTTT

>trans\_c\_3877 AY173414|Petroselinum crispum mitogen-activated protein kinase 4 (MPK4) mRNA,  
complete cds

CTCCCCATTTTCCTCTCTTTCACCATCTCTTATAACTATCTCAATTCTTCAACACAAACTGTTCCCCTATAGTGC  
TTTTTCCTGCTAATTTCAACCCACCCCTTCAAATTCTCCATTTCTCCAACACCCCATTTCACTTTTACTCTTAATC  
TCAATTGGGTCATCTTCCTTTTCCAATTTGCTATTTGGGTTTTACCCTTAATCTCAATTGGGAGCGTTAATGGAG  
AACAGCTCTTTTTATCAGAACATCAGGGGAGAGCCACCCATGGTGGTCAATACATTCAATACAATGTGTATG  
GGAATCTGTTTGAAGTTTCTAGGAAGTATACTCCACCCATCAGGCCAGTTGGGAGAGGAGCTTATGGAATTGT  
GTGTGCTGCTTTGAACTCAGAAACAAATGAAGATGTTGCAATTAAGAAGGTTGGCAAGGCATTTGACAATAG  
AATTGATGCTAAAAGGACCTTACAAGAAATCAAGCTTCTTCGACACATGGATCATGAAAATATTATTGCTCTCA  
GAGATATTATAAGACCTCCTCAGAGGGAGAATTTCAATGATGTATACCTTGTTTATGAATTGATGGACACAGA  
TCTAAATCAGATTATACGGTCCAACCAATCATTGACTGATGACCATTGCCGGTACTTTCTGTATCAGTTGTTACG  
AGGGCTAAAATATGTGCATTCTGCTAATGTTCTACACCGTGATTTGAAACCAAGCAATTTGTTCTCAATGCAA  
ATTGTGACTTAAAAATAGGAGACTTTGGCCTTGCAAGGACAACCTCTGAAACTGATTTTATGACCGAGTATGTT  
GTTACTCCGTGGTACCGTG

>trans\_c\_3878 NM\_180045|Arabidopsis thaliana RPL16A; structural constituent of ribosome  
(RPL16A) mRNA, complete cds

AGTGACATCGGAGAAAAACCTAAAACCTGCCTCCTCCACTTCGTCTGCTGTGACCGTCCCTCCCTCTGCCTC  
GCCTGCCTCATCCGACAATGGCTTCAGAGAAGAAGCTCTCGAACCCCATGCGAGATATTAAAGTTCAGAAGCT  
GGTCTTAACATCTCCGTCGGTGAAAGTGCGATCGTCTCACCAGAGCCGCCAAGGTGCTTGAACAACCTCAGT  
GGCCAATCCCCGGTCTTCCCCAAAGCCCGTTATACTGTTCTGGTCTTTTGGGATCAGGCGTAACGAGAAGATCG  
CCTGCTACGTCACTGTGAGGGGCGAAAAGGCAATGCAACTTCTTGAAAGTGGTTTGAAGGTTAAGGAATACG  
AACTCTTGCGCAGGAACCTCAGTGATACAGGCTGCTTTGGTTTTGGTATTGAGGAGCATATTGATCTTGGAATC  
AAGTATGACCCTTCAACTGGTATATATGGTATGGACTTCTATGTTGTTCTAGAACGTCCAGGCTATCGTGTTGG  
TCGTGACGTCGATGCAAGTCAAGTGTGGAATTCAACATAGGGTCACCAAAGAGGATGCAATGAAGTGGTT  
TCAAGTTAAGTATGAAGGTGTCATCCTTAATAAGTCTCAGAATATTACAGGCTAGATTAATCCCTCAATTTTGG  
TGGCCTCTACAGGTTTTTGTAGCCTTCTATTTTTGTATCAGAATTTTATTTTAAAGGTTTGAAGACATTTATTGA  
TTTTCTGTATTTTATCTTCGAATGGAAGAAAAAGGATTTCTCCTAATGAGAAAATTTGTTATTTTGTGACTC  
GGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3879 HM130680|Brassica napus glutathione peroxidase 1 (GPX1) mRNA, complete cds

GAAAATGATCTAGACAATACCACGTGTAACCACATCTTCCACATTCAAACCATTGTTTTGTCATGAACTTAGGA  
AAATGTGCCATTACATAGTTAGTCGCAATCCGTTATTTCTTCTTCTCATCTCCATAAACGCTTTGTAAAATCAT  
TCACACACCTACTTCCCATCCTCCAATCCCAATCACACCTCATTACAGAGCTTCCATGTCTTTCTCCGCTACTT  
TCCCTGCTCCAATCAATGTCTGCTCGAAAACCTCAACAGGTTTCTGCTATTCTTTGCTTCATGGCCTTCCATGG  
CCGCTAACTTGATTCTTCACTCAAATCCTCGCTTGAGCTTCCAAATCTACTTTTCTGCGCCATAATTTGACTAT  
GAAGTCCTCAATTTCTCATGGGGTGTTTTCGAAAGCTCGATTTTCTAGTGTTTCTGCTAGAGCTGCTACGGAGA  
AGAGTATTCACGATTTCACTGTTAAGGATATTGATGGCAAAGATGTTTCACTGAACAAGTTCAAAGGGAAGGT  
TCTCCTGATAGTAAACGTTGCATCTAGATGTGGCTTGACTACTGCAAACCTACTCAGAGCTGTCACACTTGTATG  
AGAAGTACAAAGCTCAAGGGCTGGAGATTTTGGCTTTTCTTGCAACCAATTTGGGGGCCAAGAACCTGGGTG  
CAATCCAGAAATCAAGCAGTTTGCCTGCTCAAGGTTCAAGGCCGAGTTCCCAATTTTGTACAAGGTTGATGTC

AGCGAAAAACATCAAAGTTGAGTATCCGAAGGAAAAACGCAAAATCAGTGAGAAAATATTCAGATCTGATCTG  
 ATCTAACCTGATCGGAGATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCTCCATCGGAAAAAA  
 TGTCGTCCACGTTACGCGGTGATGAAACGGCACCTTTCTTTGGCTTTCTCGGCGCTGCTGCGGCCCTTGTTTC  
 TCCTGTATGGGAGCTGCTTACGGGACGGCAAAGAGCGGTGTTGGTGTGGCGTCAATGGGAGTGATGAGGCC  
 GGAATTGGTAATGAAGTCTATTGTTCCGGTGTTATGGCTGGAGTTTGGGTATTTATGGTTTGATTATTGCTG  
 TGATTATTAGTACGGGGATTAACCCCTAAAGCTAAATCTTATTACCTTTTCGATGGTTACGCTCATCTTTCCTCTG  
 GTCTTGCTTGCGGCCTCGCCGGTCTATCTGCTGGCATGGCTATCGGAATCGTCGGCGATGCGGGCGTCAGGG  
 CCAATGCACAACAACCTAAGCTTTTTGTTGGGATGATTCTCATTCTAATTTTCGCCGAAGCACTTGCTCTTTATG  
 GACTTATTGTTGGTATTATTCTCTCCTCCCAGCTGGTCAGTCAAGAGCTGATTAAGTGATGAAATGTTTTGAG  
 CTTGGAATTTGTGATTACTGGTCTCTCTTTTTCCCTTCTTATATCTCATGAATTGTTTTGTAGTTCTATGATT

AGAAATGGTCATGACTAAGTTCTTTACTTTCTCAAATATCCCTGTGGCCGTGTGATTCTGTACCACATATATGC  
CGTACTCATAAGGATTTGGA

>trans\_c\_3883 DQ056438|Lycopersicon esculentum cytoplasmic ribosomal protein S13 (ACI39)  
mRNA, complete cds

TGGATAGCTGGCCGTCGTAGTAGAGCAACTCTCATCGAACTCCGGAAGCGGAAGCAGGGCCAAGGGAGACA  
ACCATGGGTCGTATGCATAGTCGTGGTAAGGGTATTTCCGCCTCTGCATTGCCCTACAAGAGGACGCCACCAA  
GTTGGCTCAAGATCTCTTCTACGGATGTTGAAGATAATATCTGCAAATTTGCGAAGAAGGGCTTAACCCCTTCT  
CAAATGGTGTGATTCTTCGTGATTCTCACGGGATTGCCAGGTCAAAAGTGTTACCGGAAACAAAATATTGC  
GTATTCTTAAGGCCCATGGACTTGACCTGAGATTCCAGAGGATCTCTATCACTTAATCAAGAAAGCAGTTTCC  
ATCCGTAAGCATTTGGAGAGGAACAGGAAGGACAAAGACTCCAAGTTCAGATTGATTCTCGTGGAGAGCAGA  
ATTCACAGACTTGCTCGTTACTATAAGAAAACCAAGAAGCTTCCACCAGTTTGAAATACGAGTCAACGACTG  
CCAGCACCTGTTGCTTAATTTTGATTTTTGAGTGATTTGGTGGCTATACGATTCAATCTGTGATCTGCTTCAG  
TCATTGTGAGGTCAGGTGGATCAGTGAGAGTTGCAACTTGTTTCTATTTATGGCATCAGTTTGTATTCAGTT  
TTTATTATCGGAATCTGTAGACTTATTTGAACAGATTTAAAAGCAAATCAGAAAGCCTTAATGGTTCGTGTTTC  
CTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAGTTCA  
TAATCGAGGAAGATGAACTCACCTACTCTTA

>trans\_c\_3884 NM\_112623|Arabidopsis thaliana NPSN13 (NOVEL PLANT SNARE 13) (NPSN13)  
mRNA, complete cds

TGATAATTTTCGTGCTCTTTCAAATGGGTTCCAAAGACTGGATAAGATCAAAGATTCCAATAGACAAAGTAAG  
CAGTTGGAGGAGCTCACAGGAAAGATGAGAGAATGTAAAAGATTAATAAAAGATTTTGACCGTGAAATCAAG  
GACGAAGAGAGTAAAAATCCGCCAGAAGTGAATAAGCAGCTTAACGATGAGAAGCAATCAATGATCAAAGA  
GCTGAATTCATTTGTTGCATTAAGGAAAACGTACATGAATAGTCTCGGTAATAAAAGGGTTGAGCTATTTGAT  
GAGGGAGGTGTAAGTGAACCTACAGCGGATGATAATGTTTCGGATGGCCTCATCAATGACAAATCAAGAACTT  
ATTGATGCTGGTAAGAAGACAATGGATGAGACCGATCAGGCTATTCAACGCACTCAAAGGTGGTTGAACAA  
ACTATTGAAGTGGGAACCTCAAAGTCTGCTCAATTAAGGCCAACTGACCAAATGGGTCGTATAGTAAACG  
AGCTTGACAATCAATTTTTCAATTAAGAAGGCTTCCCAACTGTGAAAGAAATTGGCAGACAGGTTGCTACAG  
ATAAATGCATCATGCTGTTTCTGTTTCTAATTGTGTGTGGAGTGATAGCCATTATCGTAGTTAAGATCGTGGAC  
CCCAACAACAAAAGCATCAGGGATATTCCAGGATTGGCACCTCCAGTTCCTGCAAGGAGGCTTTGTATCTGA  
GGACAACCGAACATTTCAAGTAAATTCTTGTGTTTAGGAAAGTGATAGGTCTTCATGGTTATCTATTCCCAGTAC  
ATTTCTGCTTTAAGAAGGGCATCGAGACACGACATT

>trans\_c\_3885 AY107267|Zea mays PCO073795 mRNA sequence

TAATTAAGAGAAAAAAGGATGTTTCATCCCATCGAAGAGTTTAGGTAGAACATAAAATAGGAAAAAGAGTT  
CTTCAGAATGGATGTGATGGGAGGGTGAAATAACTTTGCCAAATCTTTAACCATCATAACCCCGGGAGATT  
GGTCGGGAGCGGGCAGGGCAGAGTAAACAAAACCTTTGAATCTACATGTATCCTCCTTGCTGCTGCTACG  
GTTGTTGTGGAGGAGGCTGCTTGAATTTCCATACCCACCATAGCCACTGTAGTACATATTAGGGTCATGAGG  
AGCTGGAGCATAGCTATAGTTTTCTGATCCTTGTCATACCCGTAATAGCCACCTCCATTCCATTGGTTAGGGT  
CCGCCTGTTTATTTGAAGGACTACGTCCCATGAAAGTCTAATGTTCTGTCCACCAATTTGCGTTCCATTCAACG  
CACGTAACGCTTCTCAGCACAGTTTCTGTGAGAAAATTGAACAAAACCATCGTTTGCTACAGGTATCTTT  
ACATGCACCAATTCCCATATTGACCAAATACTTGTCTCAAGTGATCGTCTGTGACGTTAGCATCCAAATTGCC  
CACAAATATAGTCGTATTGTTTGGATCATTCTCATTCTGAGCCCCTTGAGGATTCTGATATGAAGTTTTCGAAA  
ACTGCTGACTGCCAGAAGTGTTCTTGTAGCTGCTGGTCCGATTGCATGGGTCTGGATGAACAATGAACACC

ATTCATCTCCATTTTCTCCAGGCTTTCGAACTTTTCAAGTTCATCGAAAGTCGGCTTTATATTTTGAGCACTTAT  
TGACTTCATGGACACTGTTTTATATA

>trans\_c\_3886 XM\_002889891|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T12C24.2, mRNA

CATGTTACACGTTGTACGGATGAAGCTCAAGCTGAGTATATACTGGATCTGCAAAAACAAATTACTCTATTGG  
GTGGTGAGACAAGGAAGGACTCAAATGGAAGCTTTGCTGAAGATTCCATCTCTAGCATGACTATGAGTCCTGC  
AGATAAGCTCCGAACACAGTTGGATGATGCAATAGCCGGTGAATGCCCATTTTGTGGTGAGTTAATGATCCGT  
GAGATCTCTTTGCCTTTTATTTTCATCAGAGGAAGCACAAACAGGTTAGTTCATGGGAAATTAGACCACATAACCT  
TGGAGGACAGCGGAGCTTTTCTTTACCTGCATGATTCTTCTTTTCTTTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTTTT  
TTTTTAAATCTTTCAGAATGGACTTCGATTTTCATATCCTTTGTGGTGTGTACATAAGCCTTCCCGTCTGTTAAGT  
TATTAACTTAACATTTTTCTCTGAATTGATTGTATTGTAGCCTACTATTCACCTGCGAGTCTTCTAAGTGAAAC  
AATTGAATCGGCTGTTATTAATGGGTTTAGTTGAGATTGGAAAATTGAGTTTGTACAACCTCTGTGGGGATT  
GTGAAAAAATGTGGTAGATGGATTGTGCAAATCTAAATTTATATTACCTTTCTCTCTTTTGTATTGTGTAAAAA  
CTTCATTTAGTAGTGATGATATAGAACGTGTGTTTCCTTATCTAAAAGTTATGTAATCTATAGAATGAATTTGT  
TCATTAACATAGCCTTGGCCTTGGGTTTGCAAGTTACATAATTCTAGATCAATCTCCGTACAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3887 NM\_100564|Arabidopsis thaliana transporter-related (AT1G06890) mRNA,  
complete cds

GTTCCATTTCTCTTTTGTACATAACTGTTAGCGTTCTTCTCTCCATTAAAGACCACGCAGACTGTTCCAATCAAT  
CTCCTTTGCATAATATTATGTTACAGATACTCTCCTAGCGCACCGCACAAACCTACGCCTCTCTCTTCGCGAATC  
CAGATCGTGGTAGGACTCGACACTGAGCAGCCTGAAAATGAGTGACGGCCAGAAGTTCCAGCTCGGGACTAT  
CGGGGCATTGAGCTTGTGCGTGGTTTCGTCTGTCTCGATTGTCATATGCAACAAGGCATTATTAGTACACTCG  
GTTTCACATTCGCCACTACATTGACAAGCTGGCATCTGCTTGTTACATTTTGTTCCTTCATGTGGCACTATTGA  
TGAAACTGTTTGAACATAAGCCTTTTGATGCGAGAGCTGTAATGGGATTGGAATACTAAATGGAATCTCAAT  
TGGGCTTCTAAATCTTAGCTTGGGCTTCAACTCTGTTGGCTTCTACCAGATGACGAAACTGGCAATCATCCCT  
GTACCGTTCTTTGGAGACCCTTTTCTTCAGGAAAAAGTTCAGTAAAAGTATCCAGTTTTACTCATGATCCTCC  
TCCTGGGTGGTTGGGATTGCAACTGTGACGGATCTACAACTAAATGCCCTGGGGTCTTTCTTGTCTCTGCTTGC  
AGTTCTTACCACATGTGTTCCACAGATTATGACAAACACCATTGAGAAGAAGTTCAAAGTTTCTTCAACACAAC  
TTCTATACAAGTCTTGTCTTATCAAGCATTAACTCTGTTTCATCGCAGGCCATTCCGGGAATGGTGTCTAACTG  
ATCTAAATGTTTTTGCTT

>trans\_c\_3888 NM\_001068167|Oryza sativa Japonica Group Os08g0359600 (Os08g0359600)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTCTTTTATTTTCCGAGAGTTCTTCTCCTTGCTTAAACCCTATTTACGTTAAGCCACCCCGCCCT  
CCCATTACATGGTACTCCGCCCCACCGCACGCCGTTCTATCCAGATAGTTCCTGAATCTTTGTAATTTGTAGCA  
GCTTCAAGCTTAAAAGGGTTTAGGGTTTTCAATCGCTTGCCCAAGATGAAGCAAGTAGTGGGTATGGTGGTTT  
CAAACAAAATGCAGAAATCAGTTGTCGTTGCAGTGGACAGATTGTTTTATCAGAACTCTATAATCGCTACGTT  
AAACGCACTTCCAAGTTCATGGCTCATGACGAGAACAACCAAGTGAATATTGGTGACAGGGTTAAATTAGATC  
CTTCTAGGCCATTGAGCAAGCGTAAACATTGGGTGGTTGCTGAAATTTGAGGAAAGCACGAATTTACGAGCC  
ACCATCACAAGATAACCAAAGTGTTCAGACAAAAGCAATGTTTCAGCTCCTTCAACCACTTAAGAAGAACTA  
CTGCAAACCAAGACCAAATTCGATCTCGCATTGCATTGGAAGAACTGAAGAACGGAACTCTGGACAATGAA  
CTACTTCTGTAAGCAGTATGTTTCTCAGATTAAAGATTTGTAGTTACATTACATTTCTGTTTCTTACTGTTGTG  
AACCTTCTTCTTCTACGAGGCATTTTATCTCCACAAGTGTGTTGTGATGTTAAAAATGCATAATAAACATAT

TCAGAAAGGTTCTATCCATCAGATCATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3889 XM\_002884559|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

CAGCGACTGATCAAGAAGTGCAAGCCTAAAGATGGTGTATTTGTTTCTTTGTGTACCACACTGAGTCAGGCCG  
TCTTACCTGGTACAAAGACAATGAAAGCTACTACTCAAACCAGCATGTGTATGTCTTATGAGAACAAAAGTTC  
AGGTGAAAAAATCATGAGACAGGTTCTGGTATTTCTAGCAGCTCTCCGATAGTAGTAGCGGCAATTCTGAT  
GAGGAAAGTTGCAGGGAAAAGGAATCTACAGCTTCTAGAAGTTACTCCAACAGTAGTGTCTTGCATATCACTT  
CAGAAAATCATCAATTAGGTGGGGACGACTATCCATTGATACCGCAAATTCCTCACCTGAAATGACTGTGAA  
CGGATCTTTAAGTTAGTATTAGCATCAATCTTCCTTCTGGTGCTCGCCAAATTATTATGATATTTGACTCATGGA  
TATGCTTGGTGGTGAAAAATACTTGGCTCTTAGACTACACGAGAATGAACAGCGCACTCCCAAAGAAAGTG  
AATCAACAGACTGGGAATATATTTGGTTTTGGGGATTTTGGTTTCAGCCGAAGATGAGGAGGTCTTACTGTA  
TAGTGCAACTGAGCAGGGAAGATATCTTCTACTCTCTCAATTTTACCTCTAGCATTTTACTCTGTAAAACATTTG  
GTCGAATTAATTTTGCTGGTTAGCATTGTCACCTCTTCTCTCTGTCTAAATTTACGCTCTTCTTGCTCCTACT  
CCGCTTCTCGAGAGGAAGCGTGGTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3890 NM\_001126006|Arabidopsis thaliana nucleotide-sensitive chloride conductance  
regulator (ICln) family protein (AT5G62290) mRNA, complete cds

AAAAAGAGAAAAGGTTGTCTGAAGGAAAGAGTGTTGGGGTTTTAAACACAGCGGTAGTGAAGAAGAAGAGTT  
AAGGAATTAGGGCTTTAGACAGAATGACAATGGGACTAAGGCTTTACACCGAGAGAACTGGCAATGGTCTGG  
GATTACCATCTTTTCGACGTTGATCAAGGCGAGGTTCTCATGCACGTATTGCCCGCCGTCGGCATCGTTTTCGAT  
AATCGGCCCCCGAGTTCCTCCGCACTCTCTACGTCTCTCCAGGCAAGTGTTGGGTTGAGTGATGCGAACA  
TGGCAAAAGGTTATGCAGTTGATTTTCTGTCCATGTCATTGCATGCAGTTTCAACAGACCCAGAGGCCTATCCG  
TCTCCTTGTGTTGATGTTTCAGATTGATACTGGAGACGATGAAGAGTTAGAGAATGCAGATTCAGAATGTCATG  
GTGAAGAGTCTGAGAATTTTGACCTAACTGCAGTTAGAGAGATGAGGCTTGACCTTCAAATCCCAACGAATT  
AGAACTCTGTTTGAGATATTCTGCCAGTGTGCTGAGCTTAATCTGAACCAAATGGAGATGAAGAAGAACAA  
GAGCACAACCTGGATTGTTGGTGCCGATCAATTGGAACAGATGCCAGGACTTGCAGTAGCAGGAGATGACAAA  
GAACAATTCTCCTCTATCCCACCAAGCTCAATCGGCAACTCAAATGGAGATCATGATCAACTAGCTCGCACAGT  
GCTTCAGCTTCAAATCAATGATCAGCGTTTTGAGGATGCAGAAGAGATGGAACCTGAAAACAACAATGGTAA  
GCATAGTTAGAGCTTGACCTTANGAATCAGACT

>trans\_c\_3891 XM\_002889989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

CTCCACTGGCAAATTATGAGCCATATGAAGCTGCCAAGTATGTGGCTGAAGGTCACAGACCGATCTTCCGTGC  
GAAAGGATACCTTCCTGTTCTGAGAGAGTTGACAGAAGAATGTTGGGCATCCGATATGAACAAGAGACCTTCT  
TTCCTGGAAATTCTCAAAGACTTGAAAAGATCAAGGAAAGTCTACCAACTGATCATCACTGGAATTTGTTTAA  
TGCATAATGTTATAATTTACACGTGAATGCAGTATAGTATATGCCGTTCCAGACATTCACTTTCTTCTGCTCG  
ATTATATGCCCCGGAAGTTGCAAGTGTTCTCCACTAGCATAGGTTGTTTAAAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAGAAGGATTTTACGGCTTGCTTTCCTCTGCTCAAATGCTGATTTTGATTGAAAATTCTCATCTTTTTT  
TCTCCACTAGCTCTCTTGTATCATCGTCCCAAACCGCAGTCCCATTTTCCATGGAGGAATCTCCTTCAGAATG  
TGGCCTTCTGAATGTCTCTTATAGGATTTAATTGTTTCGTCTATAGGATTGAATTGTTTCTTCTTATATTTCA  
ATTGTAATTTAGTTCTGGTAACGAAGAAAACACAAGCATTATATGTAGTTCTGCTTCATGACTTCTCTGACTCT  
TTTCTTCTGGTGTAAGAATTTATTAGTTTTTTGTTTTTTGTTTTTAAATTTGTTTAAATAATAATAATA



ACAACCTTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3892 X60391|*P.vulgaris* mRNA for prolin-rich protein (PvPRP1)

CACCACCTGTATCCCCACCACCATCACCTGTATACGAAGGCCATTGCCACCAATCTATGGAGTTTCGTACGCT  
TCCCCTCCACCTCCACCCTTCTATTGATTCTTTTGAGAAATTTCCACCTCTAACCTTACCTCAACTCAACCATAG  
AAGAAGGAGAAATTTACACCAAATGCCCTCTTTTATCTTCTTCAATGTACTAAAAGAATATCCCAATCTCCCTC  
CATTATTATTTTTCTCCTTGAGCAATGCTCATCGCTCATTGAGGAAGAATAATCAAAAAGACTTTTTAAGGATT  
ATATTTATTTCTGCAAGTTAAAAGCGGCCGTGGCCATGTCCATCATGTTCTTCTCTTACAAAAACCTCAATTA  
CTTTGTTTAAAGATTTGGAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAGAAGGCATTTTATTATTACACAGAGTGTAAGG  
CGAGAGGGAAAGTCTTCTTATTGTTTGAATTGTTATGGATATTTGAATTTGTGAAATAAATGGCAGAGAA  
GAGTAGAAGAAGTGCAGAGAATGTTTATGTTTCAGCAAAAAGAAAAAAAAAATTGTATGTATAGGGATGA  
ATTTGAAGAACTATAATTCAGAGCAACAATGGGAAAGCAGTAGTTTCTGCTGCTGCTGCTTTCTGGTTTGTGG  
TCTTTTATTTTTGTTTTTTTCTTCTTATTATACTTTGTTTTCAATTAATAGTATAATCATGAACATTTTAC  
TTGTATCAGATTGTCTGAATTCAGATTATATTATCTTTAATGTTCTTCACTGTTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3893 FJ708814|*Arabidopsis thaliana* leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

ATTGCGTTGGAGCTGCAGATGGTCTAGCATATCTGCATCATGACTGCAAACCAAGATAGTTACCGTGATA  
TCAAATCAAATAACATTCTCCTCGACGATCACTTTGAAGCTCACGTTGGTGACTTTGGTCTAGCGAAAGTTATT  
GACATGCCCTCATTCTAAATCAATGTCAGCAGTTGCAGGATCATATGGATACATTGCTCCCGAATATGCTTACTC  
TATGAAGGTTACAGAAAAATGTGATATTTATAGTTTTGGAGTGTTCTTCTTGAGTTGTTAACAGGAAAAACTC  
CTGTACAGCCATTAGATCAAGGAGGTGATCTTGTAAATGCGGTAAAGAATTTATCCGTGACCATTCATACAC  
GTCGAGAATATTTGATTCTCGGTTGAATCTTCAAGACCGAAGTATTGTTGAGCACATGATGAGTGTACTTAA  
ATTGCTTTAATGTGTACAAGTATGTCTCCGTTGACCGACCATCAATGCGGGAGGTTGTATCGATGCTTACAGA  
GTCTAACGAGCAAGAAGTGAATTTCAATCCATCTCCGATTCCGATCTTCTCTCAAAGATAATACCGTATGAC  
AGTTCATCAATTCTTGAAGTTTCATAAGATGGCTATAGTTTCTGATTTGTTCTCCTGATTTTTTTCTAACAGG  
AAATTGATTAGTTTCATAGTTTTTTTTTCTCTCTTTTAGAAAAATGTTTCATTGAATTGTCTTTTCAGTTATTGG  
GGGTAAGTGGGTAAAGATAGATATTTCCAATTCTGTATTTTGGTAAAAGGAACTAATTACAATTTTCGTGTA  
CAGTTGGTAATACCATTGT

>trans\_c\_3894 BT008710|*Arabidopsis thaliana* At5g04840 gene, complete cds

AAGTTTTAGCATATTTTTATTATTCCTCCTCCCGTTGAGGGCCGAATTTGAAGCCAATGGCGTCCTCATCTTCA  
TTCTGAACACACTACAGCAGCAAAAAGGCAAGGAAGATGTTTCCTTTTACATTGTCTTTTTCGTTTCCAACC  
AAAAAATTACACTTATAAAAGCTAAGAACGAGGCTGATGCTGATGGGAAACTTGTGATATAGTCCAGTAACTC  
ACCATGTCAACCAGGCAAACCTCACCTTCCTCCTCGTCTCGCTGCCGACTCAAAGAAAACAATTTCTGGTCC  
AATTAATGGTTCTATTGCACCAACCCACCTGTTAATGAATTCTCTCACGACAATTCTTCATTAAGTTCTGTGTT  
AGAGGATGAGCCTGTATGGCTCGGTGAATTATTAAGCGACTGTGAATCAAATTCCATTGGACAACCGCTTCGA  
CGGTCAGCTAGCGACTCTGTCACCCTTCTAGATGGTCTTGCAGATTCACTGAGGAGTATGTGTATTGCCAAAG  
ATGTGGAGAATTCAAGTTGGCAATGAACTTGTGAACAATGGGATCCATCTTGCACTTATGGACCTAACTCACC  
CAGGAGAAAATGCAGTTCAGATTTTTCAAACCACAGTATGGTTTCAGCATTATCAGAATTTGTTTCATCTTACC  
ATGCCGCTCCAGTGCACGCAGATGCCTGTTCTTTGCCGAGAACTCTTCTCAAATTTAAATGGAAACATTAAT

GAATCAGTTAGGGATTTCAACACAAATGAAAATGCAGCAAAACGGCACAATGGGCAGCGGTCAAGGGTTCGA  
AAGCTTCAGTACATTGCTGAACTGG

>trans\_c\_3895 NM\_001064264|Oryza sativa Japonica Group Os06g0508700 (Os06g0508700)  
mRNA, complete cds

AAAAAGAAAGAAGTGCCTGCTGACCAGTTTAACCCTACTTTCTCAAGTTCCTACTGAGACTTACAACGCCGTC  
GTTGTTTCCAACCTCCCACTCCTCAAATTTCTCCATTTTCTTCCCTTCATCGTCTCCATTCTCTCCGCTATAACCT  
ACCTCAACCACCAGTAATTCGTTCTTCTTCGGAGTAGCCTTTGATTCTCCGGCGGATTAAGATTGATAGATATG  
GGCGACGATTACAGGCAAGGCCGCCGAACCAAGGCTACAAAGCTTCCGATTCCAGGAAAGAGGAATATTCTC  
ATCACTAGCGCTCTTCATACGTCAATAACGTTCCCTCACCTCGGAAATATCATTGGCTGTGTGTTGAGTGCCGA  
TGTTTTTGCTAGATACTGTCGTCTTAGAGGTTATAACGCTATTTACATATGCGGAACCGATGAGTATGGAACG  
GCGACGGAGACAAAAGCAATGGAAGAGAAAATGCTCTCCTAAAGATATTTGTGACAAGTATCACGCAAATCAC  
AAAGAAGTTTATAATTGGTTTGGTATTAGTTTTGATGAGTTTGGGCGCACATCATCACACAGCAAACCTGAAG  
TTTGTCAAGCAATATTTGGCAAACCTATTGGAGAACAATTGGCTTTCTGAGAACACGATGCAACAGCTGTACTG  
TGATACTTGTGAGAGATTTTATGCCGATCGGCTCGTTGAAGGCATATGTCCTACCCCAGGTTGTGAGTATGAC  
TCCCCACGTGGTGATCAGTGTGAAAAGTGCGGGAACTTCTCAATCAACTGGAATTGCAAGACCCTAGGTGCA  
AGGTCTGTCAAAACACCCCCGTATCC

>trans\_c\_3896 AY873991|Lycopersicon esculentum stress regulated protein mRNA, complete cds

AATCGGAATTTTCAATGCAGTATGCAGTTTTACGTTACCGTCCGTGTTTTCGAGCGGCCGGAATCTGGAACCTG  
TTCATCGGAGGTTGGTCTCCGGCGGCGGCAAGTGCTAGAGCAAATTGATAAAGAGTTAGCCAAAGGTGATGA  
TCGAGCGGCTCTCTTCTCCTCAAGGAATCTCAGGGGAAGCTCGACGGCGTTGATGCTTCGGCGCCGCTCGT  
CAGATTCTCAAAGACTTTATACATTGGAAGAGCTGAAGCTAAATGGAATTGAACTTCATCTCTTTATCGCC  
GTTGGATTCAACTCTTGGTTCAATTGAAAGATATATTCAACTTGCTGCTGGTTTGCTTGCTGTTTCTGCTTGAA  
TCTCTTTGAATTTACTACCCAACAAATCTTCTACCTTTCTTTGGATTCTATTTCTTTGGACCCTCGATTCCGGTG  
GCTTTGAATGGGGGAGTTGGAAGTTTGGTCTTGATACAATTGGTCATACTTTAGTAAGAAGTACCACAACA  
GAGTTATTCAACATGAAGCAGGGCATTTCTTGATTGCCTACTTGCTCGGAGTTCTTCCGAAAGGCTACACGAC  
GTCAAGTTTTGAAGCGTTTCAAAGGAAGGGTCTCTCAATCTTCAGGCCGGCACTGCTTTTGTTGATTTTGAAT  
TTCTTGAAAGTCAATGCAGGAAAAGTCTCGGCAACGATGTTGAACAGATTTTCATGCATAGCACTTGCTGG  
GGTGGCTACCGAGTATCTTCTATATGGATGTGCTGAGGGAGGTCTTGCCGATATCAACAAGTTGGATGTGTTG  
TTGAAAGGGCTAGGGTTTACACAAA

>trans\_c\_3897 NM\_125614|Arabidopsis thaliana embryo-specific protein-related (AT5G62200)  
mRNA, complete cds

ATACTCGGTAATTTTTCGTACTCTTCTCTCCAAAGGCTCCTCCACGCACCCAGAAAAAATGGACATTAAAGGG  
GTGCTCTGTCTTCTCCTTACCTCCGCCATTCTTTCCCTTCTTAGAAGCCACCGAATTGCTGCCCAAACCTGCCG  
AATCCTTTAATTTAACCTATATTCAGCAACTTGGGAGTTGTTCTTATTCGGTTGTTATATCAACGAGTTGTTTGT  
CACCTACATACACAAGGGATCAGATCAGTCTCTCATTCCGGCGATGCTTATGGAAACCAGATTTATGTGCCAAG  
GCTCGATGACCCATCTAGAAGGATATTTGAAAGATGTTCTTCTGATACATTTGGCATTAAATGGACCTTGCTT  
ACCAAATTTGCTATGTTTATCTTTATCGCACCGGACCGGATGCCTGGATCCCAACAACAGTGACAATCTCTGGT  
CATAATTCTAGACCCGTCACATTTAACTACAACACTGCCATACCGAGCGATGTATGGTTCGGGTTAACTTGTG  
TGGTCATCCTTCGTCTCAAACCATATTTAGGTTGCATAGGGTGCTTCTATGTCAATTTAGTGTCTATTCTTCTA  
CTTCTCTTGTAACCTTTGTGTTATGTGAGGATGGTTGTTCTATGTTCTATCCCTTGATAAGAATATACTTTACATGT  
AGCACTTTTAGTATAGGGGACTAGTGCAGAGTTGTACAACAGGCTGAGGGAGTTGTTGGTGATCGAGACTCC

CGACTTGGGATAAGCTTTTGAAGATCTTATTTTGGGAATTGGGAAATAGAGAAATTTCTGGTTTTGTTATTTCTTGATATGTAAAATGAAA

>trans\_c\_3898 BT011962|Arabidopsis thaliana At5g15640 mRNA sequence

TTTCTTCACTGCCAACGCGAGACAGGCGCTCTCTCTTTGACGAACAAAGAAGAACAGCGAAGAATTTACGATT  
AACAGAAAAGAAAAACCGAAACACCCTTTTCCACGAGACTGTTTTCTCTCCAAGCAATTATTTTGAGAGAAACC  
CAAGAAATGTTTCGTCGATATTTGAAGAACTCGCCGACCCACTTCCATTTTCGTATCCTTTTTGGCTTTTCTTCTTG  
TTGGTCTACGTGATTTACGTCGTCGGAACGCCTCCAATCGTTCTCGGCGACATTAATTGGTTTTCCCGACTTTTTG  
GAATCATCAATGCGTTCCTGATTTTCTTTGCCCATCTTGTTTGGTTGATTTCGCATAAGGGAGGCCATGAATGCG  
AATAGTTCGCGATTTCATCGTTTGGTCAAACAGATCAACTGGGACAAGCTTGATAAAGCAAAATTTTATG  
GCGTAGGAGCTGGCCTCTTACTGGGATTACTGTTGCACTGTACCCTGTTTCTGTTGTGAAAACGAGGATGCA  
GGTTGCTGTAAAGGATTCTGCCGAGAGAAATGCCCTGTCTGTTATTAAAGGCTTACTGAAGAATGATGGGGTT  
CCTGGTCTTTATAGAGGGTTTGGCACAGTAATCACTGGTGCAATTCCTGCAAGGATCATCTTCTTACTGCTTT  
AGAGACTACCAAAGTGGGAGCCTATAAACTGGTTGAGCCATGTAAATTTTCTGAACCTACACAGGCTGCTTTG  
GCAAATGGGTAGCTGGCATGACTGCATCACTTTTTTCTCAAGCTGTTTTCGTTCCAATTGATGTGATTAGTCA  
AAAGCTAATGGTTCAGGGATAC

>trans\_c\_3899 NM\_001124007|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein / protein  
kinase family protein (AT1G53430) mRNA, complete cds

CAGCTTTGGAATAGTTGCCTTAGAGATAGTTAGTGGGAAAAGTAACACAAATTACCGGCCGAAAGAAGAGTT  
TGTTTATCTTCTTGATTGGGCCTATGTATTGGAAGAGCAAGGTAACCTTCTAGAACTAGTAGATCCAGACCTTG  
GTTCAAATTACTCATCAGAGGAAGCAATGAGGATGCTGAACGTAGCTCTTATGCACCAACCCATCTCCAAC  
CTCAGACCAGCCATGTCTTCTGTGGTGAGTATGCTTGAAGGTAAGATTGCAGTCCAAGCACCGATCATCAAGC  
GCACTTCTTCCGGCCAAGATCCAAGGTTTAGAGCCTTCGAGAAGCTCTCACACGACAGTCGATCACAGATTTT  
AAGCTCAACCGCATCTGATGCTGAGCCTCAAAAAAGTATGTTAATGGATGGGCCATGTCCTGATTCTTCAGTG  
TCTATTGATACCAATGGCAATAATCACTACCATTCTGCATCGCGTGATCCCGTTGAGAATCATCGTCGTGTGGA  
TAATTTGAAGGAGTCACCTAATTAATTCTACCAAACAATTGTTATTTACTTATCTTTTGCAGGCTATGTGTTAAT  
TGAAGTGATTTATGATTCTTTGTACAAAGGTAAGGAAATACTCTCTGGAATTGGTTCTTTTTGGCAGCACACTT  
GTGTGCATTCTGCAGCGTACCATGTTGAACCTTAGCCGTGTCCTGGTAGAACAATTGTACTATAAAACAATTTAA  
ATTATATTGGAATAATTGATCATTCTAAATGTATTTATCTATATGTATCTATGTATATATCTAAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3900 L36823|Stylosanthes humilis cinnamyl alcohol dehydrogenase (CAD1) mRNA,  
complete cds

TGAAATTCCTCGAGCAACTCATCTAAGAAGTGTAAAGCAAATCCAAATCCTTTCCCTCCCTGTTGTAACATC  
CCCTCCTAATGATTCTTCAGACAATGATAAGGAACGACAAACAGCGATGGGTGATGTATCCTGCAATGAGTCT  
ATGCATCAAGCCTTTTCACGATCCATATCTTTACCAGTGCCTGCAAAGCTCGTATCTGCAATGAAAGGTAGCCG  
AGCACAACACTATGGGGAGTCACCTAAGATGACTGTGACATGGGCTCCTGATGTGTATGACCCTCCTCAGACA  
TCGTTGTGCCATTGTGTCAAAAACAACAAGAAGCAGCAGAAATCAAAGAACAGGAAGAATGGGAAGAAAGG  
ACAGAAGGGCAGCAACTCTTCGCGCGGGAGTGGTGGCAGGGACAAAAGGCAGGCTCGTAAATCTGTTGGTA  
GTTCTGATCGGTATCAAAGATCATTTAACTCTCAAGAAAGTTTGGTTAATACTCTCAACGAATTTGAGAGTTTC  
GACGACGGGAGCTCAGACTCTCACTGTGGAAGCATCTTCTGAAAACATCAGTCACCAAGGTGCACTACTCTG  
TACTGAAGCCTTGTGAGCGTTACCTGTCCAAGTTTTCATCATCTCTCACAGTATTCTGTAAATAAAATAAAATGT  
TGTTTTGGTTTCGTTTGTGATTGTTGATGTCTGAGATGCTTGGACCAAGAAATTGTACGTTAACTCGTTTGTGT

TTGTTTGTATGAGAGATTTATAGACCCTTTTGTTATATGACGATGTTTGTTTAATTTCAACACTGCGGAAATGAT  
ATGTTACTATGGTTATGGAAAAAA

>trans\_c\_3901 NM\_180197|Arabidopsis thaliana protein arginine N-methyltransferase family  
protein (PRMT4B) mRNA, complete cds

TCTTTCTCCCTGCCGGGCGGCTGCTTCCATTGAATTTCCAAAAACCTTTTCGTTTCTCTCACAAAACCCTAATTCT  
CCACCGAACGCCTTGCACTACTGAAGCTTCAAACCTCCTAGTCTCCGAGCATAAATTTCTGCTTCAGGTTTTG  
CATAAATGGAAGACTCTTTAGGGCAAAAGCACAAACCTCACGAGTTCACTCTTGTTTCGATTCTGAACTTGCT  
TCTTCGTCTTCCTCATCGTCCTCTTCTTCTCACCGGGGGCGCGCGGTTCTGCGGAGATTCAAGGTGCGGCAGA  
GCTTCGGTTACGGCAGGAAACCGATTCTGATGACCATGCTTTCGATCTTCGGACTTCTCACATATTTCAAGTTAG  
GACCTGTTTCAGACAGTTTGCAATTTCCGAAGGCGATGCCAGGGAAGTTGAAATCTCATTCCAGAGGAGTTACCA  
TTCAATTTAGAAATGAGGAAGAGAGCAGTGCGTTTCATTCTGCTTTTGATCAGAAGAAAAAGGATAATATTGT  
CCAAGGGACCAACCTTTACCAAATGGTGAAATTTCTTCTTAAAAAGCAAGTTTCGATGATAAAATAGAATCGT  
CGTCTGCTAAGATGTACTTCCACTACTATGGACAACCTTTCACCAACAAAATATGTTGCAAGATTATGTGAGG  
ACAGGGACATATTATGCAGCAGTAATGGAAAATCGTGCCGACTTCACAGGCCGAGTGGTTGTTGATGTTGGT  
GCCGGTAGTGGTATCTTGTCGTTATTGCTGCTCANGCCGGTGCAAAGCATGTTTATGCTGTGGAAGCATCTG  
AAATGGCTGAGTATGCTCGTGT

>trans\_c\_3902 XM\_002332384|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

ATCTCAACATATCTTCATTTTAGTTCACTCTTGTTGACTCTGTCCAGAACTTCTGCTCTGGGAAGCCTCTTCGTCT  
ATCTAATAACTCTTTCGTTCCCTTCCTTTTCATCTGATCTCCTCGGAACAACACCGGGAAAAAGGCAACGGGT  
ACGGCTTTGCTGGCGACTCAAACAAGAATCAAAGAACATTTCAATTTCTCTCTGTTTCGCTTTTATTATC  
AGCGAGCATCAATGAATATGGAGCAGTATCTTCTGAAAGACTTCGAAGTCGAGCCAAAACATCCTTCAGAGCA  
AGCCTTGAGGAGATGGCGATCTGCCGTCTCAATCGTCAGAAATCGGCGACGGAGGTTCCGAACATTGCAGA  
TCTCGACAAACGCTCCGAGGCTGAGAAGAAGAACTCAAATCCAGGAAACAATTCGAGTTGCTCTTTATGTT  
CACAAGGCAGCATTACAATTTATCGATGCCGTGAATCGGGATGAGTACCATCTGTCAGATGAGGCTAGGAAT  
GCTGGCTTTAGTATTCATCCAGATGAGCTTGATCCATTGTTCTGATGCCATGATTACAAGGCATTGAAATTTTA  
TGGAGGTGTGGAAGGACTTTCAAGGAAAGTTTCTGTCTCACTAGATGCTGGTGTGAGTGAAGGATACGTC  
CAAGAGACAAGAGATTTATGGTTATAATCGTTACACAGAGAAACCTTCAGACCTTTTGGGTGTTTGTATGG  
GAAGCATTACACGACGTGACATTAATCATCCTAATATTTTGTGCACTAATTTCTTAGGTGTTGGAATTTGCACA  
GAANGATGGCCGAAGGGACATATGA

>trans\_c\_3903 BT010574|Arabidopsis thaliana At4g09730 gene, complete cds

CGCACTGGAAGAACCGCTCGCATGGGTGCAAAAGGAAAGGTGACGAGCCTGGTTGGAAAAAGGACGATAT  
TTTGGCTACTCGCATAGAGGAAGCGATCCAGAAAAATGAGAGCTTGGAATCTCTAACTGCTGATAGCGTGCG  
GAGAGACATTGCACGGGATCGTATAACAGAGCATAAAACGAAAAATGCAAACTGATCAAGGCTTCAACTGG  
GAGTAGAGCTAAATCAGCAACATCAGCGCCAAAATCTTCAAGTGTCCATTCTAAAGGTGAACTGGAAAAGC  
ATCATATTCAGAAAGGACCCAGAAGCCTGGTGTTCAGTTTCTAAGCCTGTAAATCGTCGAGGAATATCCCA  
AGAAAACCATCTTCGAAACGAAGAAGCAAGTGGCTAGCAGAAGGCGGCCTGGGAGTGCCATCAAATCGTCA  
GGTCAGAACTAAATGTAGTTGGATTTAGAGGCCGAAGCAACCAGTTTGATAAGAGACGATCAGTGTCCAGT  
TAAGTGGAAGTCAAGTTTAAGATAATAATTCAACATAGTTGTATTTATATAAACTTCGGTAATTTTTGTTTAG  
TTCTTCAATGTGAAATGGCTTGAGTACTAATTTATTGTTTTAGGAGTTCTCAATGGGGAAATGCCTGGATGAGT  
GTAAATCTGAGTACAAATCAGTTACAATCTTCCCAAGTCTCTTTCCATCAATCATTTTCCTTTTATTGTAATTT

GGAGTTACTTAATCAACTTGATGGTTTTGATCAGCTTGGCAAGGCCAAAATGATAATGGCCACAAACAGGCCCGATGTTCTTGACCCTGCACTTCTTCGACCAGGGCGATTGGACCGCAAAATAGAGATTCCCCTGCCAAATGAGCAGTCCAGAATGGAGATCCTTAAGATTCACGCGGCTGGAATTGCCAAGCATGGTGAAATTGATTATGAAGCTGTGTGAAGCTTGCAGAGGGCTTCAATGGTGCTGATTTCGAAATGTGTGCACTGAAGCTGGAATGTCAGCTATCCGTGCCGAACGTGACTATGTTGTCCATGAAGATTTATGAAGGCAGTAAGAAAATTGAACGAAGCAAAGAACTCGAGTCCAGTGCACACTACAGTGCTGATTTTGGGAAAGACTGAAGTCATGTGTTTTACTCTTAGCGGCCAAACAACCTCTTCAAGCACAAAACCTCCCTTCCCTTCCCGCGGGACGATACGGTCTTTGCTGCGAGGCAGGCCTCAAACTGAGCTTTTTACTGGCATCACTGCTTATCTTTAGATGTTAGAACAATAGGAATTTGCTTGATTTGAGATCATAGATGGGAGATAATGAATATTATTCATGAAAATGTGGCTATTCTTCTTGTGTCTATTTTCTTTTCCAAAGCCGAGAGATGAATTTTGTCCACTGTGATTATTATTTACCCAAACATGATATCGGCGGCAGAAATATACGGTTG

ATTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3907 NM\_001084915|Arabidopsis thaliana RTFL12 (ROTUNDIFOLIA LIKE 12) (RTFL12)  
mRNA, complete cds

CTCAAACCTCCGTTCAACTTATCATTTCCCTCTTTCTCTCCTTCTCAAATTCCTCCGTCCACCGGTCTCCACCGTA  
ATGTCCCTCGCATACGCCGTCGCACACTCTTCGCAGTCGACGCAACTCTGCCTCAGAAACCGCCGGAAACCA  
GTTTTCGAAAGCGATGCTTCCGGATGATCAAGCAACAGAAAACCAGATTCTATATCCTCGGCCGTTGCATCTCC  
ATGCTTCTTTGTTGGCAGCATCATGATATTCCTGATTAAATCGCCTAAATCCACCATCGATTGTTGTTTTCTTCCC  
TCTGAATACGACAATATCAATGTTCTTTTAGTCCGCGAGAGCCTCCGATCGGAAATTGAACTCCGATTCTGAAC  
GAATTGGAGGTGAATCGGAATGTTGATTAGGTATGAAATAGATCGGAGGGGTTAGGTATACGGTTTATTAAT  
TTCTCACCGGCCGTTAAAATACAGCGCCGTGATTGTTTCGCTTGGAGTAGATTTCTTTGATCGGCAGAGAATA  
GACAAATTGAAGGCAAGCGAAAAGTAGTTTAATTTCTCTTTGAACTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTAATTTT  
AGTGTGATATTAGATCGTTGATGAACTTCATTCGACGGATACATGTATATAAACTGATTAGAAATTTAAATCG  
GACTCTGTTTTTGAGAACGATTGAATTGAATCTGTATTTATGAATTTGTTGAGATATCAATCATCAGATTATT  
AGTTCTTATCTTAGTGGATTCGTTTGAAATTATGAAGGAAGTCAACCTTTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3908 AB234880|Trifolium pratense mRNA for BEL1-like homeodomain transcription  
factor, complete cds

AGATAGTGATATCCTCATTCGAGCAGGCCGCTGGAGCCGGTTCGGCGAGAACCTACACCGCGCTTGCACTTCA  
GACGATTTTGAAGCAATTCCGCTGCTTAAAGACGCAATTACCGGCCAAATCCGAGCGGCGAACAAGAGTTT  
GGGTGAAGAAGAATGTATCGGAAGAAAAATGGAAGGTTACGCGTTGAAATTCGTCGATCACCATCTCCGGCA  
ACAACGAGCTCTGCAACAATTGGGTATGATTCAACACAATGCTTGGAGACCCAGAGAGGCTTACCCGAGAG  
ATCTGTTTCGATTCTTCGCGCTTGGCTTTTCGAACACTTCTCCATCCTTACCCTAAGGATTCGATAAACACAT  
GCTCGCTAAGCAAACAGGGCTCACAAGAAGTCAGGTTTCGAATTGGTTCATAAACCGCGAGAGTTGCACTATG  
GAAGCCAATGGTGGAAGAGATGTACATGGAAGAAATCAAAGAGCAAGAACAGAACGGAACGGATCGACAC  
CGACAACAGAAAAAGCAACGACGATTCAGTTTCGAAATCCATAGCTCCACCACCGGAAACAAAAAGCCCCA  
ATTCAAAACAAGAAAAGCTCTCAAATCAAACGTTTCATCCTTCAATCTCAATCTCAAATTCCTCCGGCGGAAAT  
GTTTCGTAACCTCATCTGGATTTACACTCATCGGAACCTCATCGGAACCTCGACGGAATCACACAAGGAAGCCCGA  
AAAAACAGAGAGGCCAGACATCCTTCATTCTCAAACAACAACGTGCCTTTCATAAACATGGACATCAAACCT  
CGAGAAAGAAGAGAACATCAAATCAAATCACA

>trans\_c\_3909 XM\_002869871|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata basic helix-loop-helix family  
protein, mRNA

AGGGTTTTGTGAAAAGCTCTCAATAATGTGCAACCCTATCCGTTGTCAGCCAACCTCCACAAAGCGATCGAAAA  
TTCGTAGAAAGGAATCGAAGGAAAGAAATGAAATCCCTTTTCTCGACACTAAATTCTTCTTCCAAATCATAC  
CTCAAGGGAAGCTCCAAGAACAGTGCCGGATCAACTTGAAGATGCCACGAATTACATAAAAGAATTACAAAA  
GAACATACAGAAATTGAAAGAGAAGAAAGAGGAGCTAATGGGAAAAAATAAAATGGAAGAAGATGAAGAA  
GCAGAAGGAAGAAGAAGAAGAAGATTTGAACATGAAACAAAACCTAAATTATTGCTACAAGTTAAAGCTCAT  
CAAATTGGTCTTTCAGTGGAAGTGTGTTTGACCACTGGATCAGACTATCACTTTATTCTTCAACAAGTCCTTCGA  
CTTCTTCAAGATAATGGAGCCGAGATCCTCAATGTCAACCAGTCCATGTTTACAGATCGGGTTTTCCATAAGAT  
AACGGCTCAGGTGGATGGAGAAGGAATAGGGCCAGGAGATGGTGAAAGGATTTGTAAGACAGTGAAGAAA  
TTTGTTCACAGTACAAAGATGAGCAATGCAGTGTTGATTACAATGGCAATGGCAATGGCAATGGCAATGGTG

GGGAAGATTTATGAAGCCATTTATTATTGTACTGTCTTTTATGGATAATTAATGCTTGAAATCAAACCATCCCAT  
TATTATTATATCATAATGTTCTTTGCATTATTATTGGTGAATTATATCCATATAATCCCAAATTGTTTGTTTTCT  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3910 XM\_002881903|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata autophagy 4a, mRNA

TTCTTGGACTTGAAAAATCAACCCAAGGTACATCCCATCATTGCGTACAACATTTACCTTTCCCCAAAGCCTG  
GGAATCTTGGGAGGGAAGCCTGGTGCTTCAACATACATAGTGGGCGTTCAAGATGAAAATGCCTTTTACCTTG  
ATCCTCATGAAGTTCAGCAGGTAGTTAATATTGATAAGGATGACCTAGAGGCTGATACTTCTCTTACCACTGC  
AATGTCATCCGGCACATCCCGTTAGAATCCATAGATCCTTCTCTAGCAATTGGATTTTATTGTCGTGACAAAGA  
TGATTTTGACAATTTCTGTTATCGGGCATCGAAGTTGGCAGAGGAGTCAGATGGAGCTCCATTGTTTACTGTT  
GCTGAAACACATTCCACAAATTCAGGGAGACAGAGCAGTGCATTGAATGACCATAGTAGGTTAGTGGAGGAC  
GATGCGGATGGCGCGGTGCACATGCCGAACGAAGAGGAAGCACATGAGGACGACTGGCAATTTCTTTGAAC  
CGCTTGAGAGGAGGGTTGGTATTATTCCTTGATTACTACTGCTTTAGGCCTCCAAGCTCCCTTGAGCTTTTCTCT  
TGCTAATATGATTGAAGTTGATGGGGAAGGGATGGCCAATATGTGAAATGTTTTAAGTTTATTTAGTGTTAA  
TTGTACAATCAATAGGCGTTGAGTTTATTGTTGAATTTGTTTATTCTTGATCCACTTTTATTGAAATTAGCCTA  
CATTCGTGTGTATAATAATAAAGCAGCTTCAATTAAATTCATAAATGAATTATTAATCTTTTCATTCTCTCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3911 AF360139|Arabidopsis thaliana At1g78240 mRNA sequence

TTCAAGGGCTAACTTGAACAAGAGTGAAGTGGCTTTGCATGGATTGGCTTTAGATGATGTCGCAGATGATTCT  
CTTAACTGGAAAATGGCAGTGAAAACTATTGGTCTCTTTTGTGCGCCACTAATCTTCTCGGATCATCCAAAACG  
ACCAGGTGATGAGGATCCTTTACCCCATACAACATGCTTCGAAATGTGCTAGATATGAATGCTCATTATGGA  
GGTTTCAATTCTGCATTATTGGAAGCTGGGAAATCTGTATGGGTCATGAACGTAGTACCAACAGATGGACCTA  
ACCATCTTCCCATGATAATGGATAGAGGTTTCGTTGGGGTATTGCACGATTGGTGCGAGGCCTTTCCAACATA  
TCCTAGATCATATGATTTGGTTCATGCGGCAGGACTTCTGTCCCTTGAAGCAAGTAAGAAGCCAAGGTGCTCC  
ATGCTTGATTTATTCAGTGAGATTGATCGGTTACTTCGTCCAGAGGGTTGGGTGATAATCCGCGACACCACCA  
CACTTATCGAGTCAGCTCGAACTGTAACCTACACAGCTTAAGTGGGATGCACGAGTTACAGAAATTGAAGATAA  
CAATGATGAGAGAGTGCTGATCTGCCAAAAACCTTTCTTGAAGAGACAAGCAAAGTGATCAGATCACAAATTT  
TGAAGGTGAAGAAGTATTTATATTCTGTGGATGATGGAATAACACCATCATAGGGAGGGCCCTCCACCA  
TCATATTTTGAGAGTAGAATCAAATTTCTGAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAACAAGAG  
AAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3912 AJ879067|Capsicum chinense mRNA for glutathione S-transferase/peroxidase

AAATCCTGGATTTCTGGCCCAGCATGTTTGGGATGAGAGTTAGAGTAGCTTTGGCAGAGAAGGGTGTGGGTT  
ATGAGTGTATCGAAGAAGATCTGAGTAACAAGAGCCCTTTGCTTCTTCAAATGAATCCAATTCATAAGAAAAT  
CCCAGTTCTTATTCATAATGGAAAACCCATTTGTGAATCTGCCATTATTGTTGAGTATATCGATGAATTTTGAA  
TGACAGAGCTCCTCTGTTGCCGTCCGATCCTTATGAACGAGCTCAAGCCAGATTTTGGGTTGATTTTCATCGATA  
AGAAGCTTTATGGAAGTGTGAGGAAGATATATGGTGGAAAAGGAGAGGCAAGAGGAAGGGAAAAAGGA  
GATGATGGAAATATTGAAGGAATTAGAAAAAGTGCTTGAGAAAAGGATTATTTTGGAGGCGAATGTTTTGG  
AGTTTTAGACGTATCTTTGGTTGGATTTTCAACTTGGTTTGGTGGTTTAGAGAGCGTTGGAAATTTTACGATTG  
AAACTGAGTGTCCAAAGTTAGTGAGTTGGGCGAAAAGATGTTCAAAAAGGAGAGCGTTTCTAAATCCCTAC  
CTGACTCTAACAAGATTTCTGAGTTTATTGTTCAATTCAGGAAAAAGATTGTTGGGTAACCAAGCTTGGGCTGC  
TTATTATCATCTTCATTTCCACCACCCTTTTGGATGGGATTGTATGTGTTGTTGAACAATATTGTTACTATCATGT

ATGTGTGTTTCCTTTGCTGATATTTCTAGATCACAAAATATTATATATTATATTTTACTACCCAGCTTCTCCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3913 Novel Gene

GTCCGTTCTCAAACAAAAGAAGAATTTCTCGATCTCAGCGATTTCACAAACAAAATCAAAGACACACAATTAGA  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAATCCAAACGAATTCGAAGAAAAAAAAATGGAATCAGGGAAGAACGATGAGTACAG  
TGCGATCTTGATCAATTTGAGCAGACGGAGCTCCGCCTCGGCTTGCCCGGCGGCGACGGAGGCGGCGGTGG  
GAAGAGTAGTTCGGCCGGGAAGAGAGGGTTTATGGAACTGTGGATTTGAAGCTTAATTTAGCTTCTTCAAT  
GGCGTCGGCGAAGGAAGAAGGAACGAATTTGGAAGAGATTAAGTTGTTTCGCAACAACCTAACGATTTTGC  
TAAACCTCCGTCCAAGTAAATTTTCTTCTCTTTCTCATTAAATTCATGTTTATGCTTAACTCATATCAAAACA  
AATATTATCTTTTTATTTTCTTGTTTCTTAGAAATATGAATTTAGGTTGTTTCAAATATATATATATATATT  
AGTAATAAAATTTGAGAATTAGATATGGAACTAAGAAGGTGATTAATTACTAAGTTTAGGGTTTATTAAGAT  
ATATATAAAATTTGGTTTGTAGACGGTAAATTAATTAATATATTAGCATCAGCTTGTCTTTTATTTTTG  
TTCTTCTAAAAACACATTAACCTTGTATTTCTTGTATATATATATAGAGTTGAAATTACCTTGTCTTGCCGT  
TTCATTTTAGTTATAGAATTGAAATGAAACATAAATATATGTCCGTGAACACGTCGAAAAACAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3914 Y15076|Glycine max mRNA for ferredoxin thioredoxin reductase

ATCCTTCAGAAAATTCACCTTCTATCAATCATCTTCATCTCCCTAATTCAACATTCTTTCACCCAAACAAAACAGAA  
AAACTTTAAACAACCTCCACAAGATCCTAATGATTCTACAAGCTTCATCCTTCAATATCGCCGTTCCACTCTCCGG  
TTCCTCCCTCGGATGTTCTCGTCACCGCCATGTTGTACGAGCTCAAGCGGAACCGTCCGAGAAGTCGGTCGAA  
ATAATGAGGAAATTCTCGGAGCAGTATGCTCGTAAGTCAGGAACGTATTTCTGTGTAGACAAGGGGGTTACT  
GCTGTTGTAATCAAGGGACTGGCAGATCACAAAGATACATTGGGAGCACCCTTGTCTTGTGCGCATTATG  
ATGACAAACCTGCTGAGGTTGCACAAGGTTTTTGGAACTGTCCATGTGTGCCAATGAGAGAGAGGAAAGAGT  
GTCATGTCATGCTTTTCTGACTCCGGAAAATGACTTTGCCGGCAATGATCAGGCAATCTCCTTGGAAGATATC  
AGGGCAACAACAGCAAACATGTAACCCCTAATTACCACTTGTTATTTTTTATTGAACAGTAATTCATATTGTGG  
TTATGGCTAAACAGGTGGAAGTATACAAGTATTGAATGAATGTGTATGTAACAGTAACCTCTATATGCTGATG  
AGATAATGAATGGTTTTCCCATATCTCCTTCCGACAAATGATTGAACTCTTTTCTGTGATGCAAATACGGTGCA  
TTTAGATTGACTTTATAAGACTTTATAAACACTTGTAAGTCAATTTAAAGACATATTGGATCTCCTTTTGCGAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3915 NM\_001061707|Oryza sativa Japonica Group Os05g0316000 (Os05g0316000)  
mRNA, complete cds

AATAAAGATCAAGGGAGCCTCTTTTCGTCATTGACAACAGGATTGTATTTAACTTTCAAGCTAACGTCTGTTGT  
TGAGAAGATTCAATCATTGTTGCTGCATTTAAGGCACTATCACGAAAAGAAGTCCATTATGGATCATATGCCA  
CTTCAGAACAGGTAAATGCTGCGGGAGATCTTTGTGCTATTTGCCACGAGAAGATGAATGCTCCAATTCTATT  
ACGTTGTAAGCACATCTTCTGTGAAGATTGTGTTTCTGAATGGTTTGAAAGAGAAAGAACTTGCCCTCTTTGCC  
GAGCACTGGTAAAGCCTGCAGAACTCCGTACATTTGGTGATGGCTCGACCAGCTTACTCTTCCAATTGTTCTAG  
ACAAAAAAATTTTCGATTTCCCGACATAACAAATCTATCAGTTTAAACAAGGGAAGATATTGATTATTGAACGAA  
AAGGGGGAAGAACAAGATAAAAGGGAGAAAGAAGAAGAAAGAGGAAAAACAAACATCCAGGCAATCCT  
GAAGATATTGTAAATTCAAAGTTGGATTAGTATTATGTTGATGCTTTATAATCTCATTGTGATGAGTTAGATC  
CCCAACAGAAAGATGGATTTAATAAAATCCCATTTTATTGAATACAATGAAATCTAATTTTTTAAACAGAGGAA  
AGGGCTCCAACGTGAGAAGTGAATGTTATATGAGAATTGATAGAGAATAAGTGAATCCAATCCTTAAAGA



TGATTATTCCTTGTAATTTAAGTATGGAGAGGCTGCCATGTGGAATTTGGTGGTCAGTCTCCATTCGTGATGAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3916 NM\_001066235 | Oryza sativa Japonica Group Os07g0496200 (Os07g0496200)  
mRNA, complete cds

CAAGGAAAACCATGGCGAGGATGTTGGGAAACAATGAAGCAGCATTTGAGGCTGCTCGTAGCCAATTTTGGG  
TGGTAGATGCCCAGGGTTTGATCACAGAGGAACGAGAAAAATCTTGATCAAGATGCAAGTCCGTTTGCAAGGA  
AGGTCAAAGAAATTAATCGTCAAGGGTTGAGGGAAGGTGCAAGTCTAGTGAAGTGGTGCAACAAGTGAAA  
CCTGATGTGCTTTTGGGATTGTCGGCCGTTGGTGGATTGTTACCAAGGAGGTATTAGAGGCTCTTAAAGGAT  
CAACAGCTACAAGACCAGCTATTTTTGCCATGTCTAATCCTACAACAAATGCCGAGTGCACCTCTGAAGAAGC  
ATTCTCAATCTTGGGTGAAAGCGTCATATTTGCGAGTGGAAGCCCATTCAAGGATGTTGATTTTGAAATGGT  
CATATTGGCCACTGCAACCAAGGAAACAACATGTATCTTTCCAGGTATTGGGCTCGGTACACTTCTATCTGG  
TTCTCCTATTGTATCTGATGGGATGCTGCAGGCTGCTGCTGAGTGCCTGGCTGCATATATGACTGAAGATGAA  
GTTACGAAGGCATTATTTATCCATCAATTTCTAGCATCCGTGATATTACAAAGGAAATTGCAGCAGCTGTTAT  
TATGGAAGCCATAGAAGAGGATCTTGTAGAAGGATACCGCGGCGTTGATGCTCGAGAACTCCGAAAATTTAG  
CAAGGAGGAAATTTTGAATTTGTGAAGAACAACATGTGGAGTCCAGAATACCCAACACTAGTTTACAATCAG  
GACTGATTTGATCTAGCCGTGTAAGAACAAAAT

>trans\_c\_3917 NM\_001060267 | Oryza sativa Japonica Group Os04g0595200 (Os04g0595200)  
mRNA, complete cds

CCGGCCGCTTTCTCCATCGTTTTTCTTCTCTCTCCGGCGAAAACATCAGCGACTTCGCCGTCTCCTCCTTCCGGC  
GACAAAAATCTCAGAGCAACGAGGATAAAACCCAGACCACGTTATCTCCTGCAGCGTGAGCCAGCGAAACCA  
ACGACCTCCGGCGACCTCGAAATACCCTGCGTTCTTTGAAAAGTCAGGAAAGAAAATGGTCTCTGGGTTG  
ATAAATGCAAATCCAGTTGTATACCAAAGAAAGAGCGGCGGGCTCGAAACGCTCCATGTGATAGTGATGAA  
TATGCAGTGGAGCCCATTGATCAGTTGGAAATTTTGTATCATATTAGAGATATTAAAGATCCTGAGCACCTTA  
CTCTTTAGAGGAGCTTAAAGTAATAACAGAAGATGCAGTTGAAGTAGATGATGGGCTTAGTTATGTGAGAGT  
TACCTTTACTCCAAGTGTGAACATTGTAGTATGGCAACAATTATTGGTTTGTGCTTAAGAGTGAAACTTATGA  
GGAGCCTCCCTTCTTGGTACAAGGTGGACATTAGGGTAGCTCCTGGATCCCATGCTACTGAAGCTGCAGTAAA  
TAAACAACCTTAATGACAAAGAAAGAGTCGCAGCAGCACTAGAAAATCCAAATCTATTAGATATGGTTGATGAA  
TGCTTGCTCCATCTTATAGTTGATTAAGTTGGGATTGACAAATGCAGTTAAGATCAATAATCATCTGAAATCC  
AATCTCACGGAAGCTTTTTGGTCTCTTTTATGAATATATGTATTATACGAGTTTAGAAATAAAATGTTCTGAAAA  
ATTTCTGGATCATTTTCTCTGAATCA

>trans\_c\_3918 Novel Gene

CCTCCTCTCAGTTCTGTGCGCCGCCCATCTCTCAATCTCTGATTTTCGTGCAATAGGAAGGAGGTAGAACTTC  
TAAATCAAGAAGAAAAATGTCAGCTGATGAAGTTGCTGTTGTGGCTGAGGCTCCTGCCCCAGCTCTAGGTGA  
GCCGATGGACATCGAGACTGCCCTGCAGATTGTTCTTAGAAAAATCATTGGCTCATGGTGGACTTGTTTCGAGGT  
CTTCATGAGAGTGCTAAAGCTATTGAGAAACATGCTGCACAGCTCTGTGCTTGGGAGAAGACTGCAACCAGC  
CAGATTATGTTAAACTTGTCAAAGCTCTCTGCGCAGAGCACAATTGTAACCTTGATGACAGTCCCAAGTGCAAA  
AACTCTTGGCGAGTGGTCTGGTCTATGCAAGATTGATTCCGAAGGAAAGGCAAGGAAAGTTGTTGGTTGCTCT  
TGTGTCGTAGTTAAGGACTTTGGGGAAGACCACGAGGCGCTTCACATCGTGCAGAAGCATGTGAGTTCAAGT  
TGATTACCAAAATGGAGTCTGTTGAGATTACAGTTGTTGGTCTCATTTAGAAAGTTTTTGATCGTTAGTTATGT  
CTAGATTTGGTGCACCTGTTGTTGCTTAAACACTTTTACCTTACCCTATAATGTGTTTTTCTTATCGATTGATTG  
GAAAGACTAGTTTTTATCATCATCTGAGTCCATTGACGTGGAGCTCATTATCATTCCGGCCAACAGAACAATTT

ATCTATCAAGAGTCTTCTTGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3919 BT024891|Arabidopsis thaliana At3g14150 mRNA, complete cds

TTTGTAAGTGCACGCTTTCATTAGCAACATTTCTGTCTACAACTTCCCCTTCAACTTCTCGACCCATTCTACACT  
GAACGCTGCACTTTCGAGCTCGCCAGCTTCGGTCCTAATAAAATCTAAGGGTAACATGTCTTCAGAACCAGTG  
AATGTGAATGACATCAAAGAATTGGCAAGGTTGGCACTTCCAAAAATGTACTATGATTTCTACTCCGGGGGAG  
CTGAGGACGAACACACTCTTAGAGAGAACATACAGGCTTTCTACAGAATCACGATTCGACCTCGTGTTCTCGT  
AGATGTAAGCAAAGTTGATATGTCAACAACCATATTGGGACATCACATCTCCGCACCTATCCTGGTTGCTCCCA  
CTGCTGCACATAAGTTGGCATTCCATGAAGGGGAACTAGCCACCGCCAGGGCAGCTGCTGCTGTAAAACTAT  
AATGGTTCTGTCTACTCCTCGACCTGTTCAATAGAGGAAGTTGCCTCTAGCTGTAATTCCGTCCGTTTCTTCCA  
ATTATATATTTTCAAAGGCGTGATATCTCGGCTCTGCTAGTACAAAGAGCTGAGAGATGTGGATACAAAGCA  
ATTATCTTGACTGTTGATACACCTCGACTTGGTAGAAGGGAGGCTGACATAAAGAACAAGATGATTGCACCTC  
CAGTGAAAAGTCTAGAAGGCCTCATCTCTATTGACGTCAAGTCTGATCAAGGTTCAAATTAGAACTTACGC  
CAACGAGATGTTGGATGCATCTCTAAGCTGGGAAGATATAGGGTGGTTAAGATCGATCACTACTCTGCCAATT  
CTAATAAAGGGAATTCTCACTCCA

>trans\_c\_3920 Novel Gene

ATTCTATTTACCGGCAAAACCCAAATCTCATAATCTGTTACCAGAAGAGATGGCTTCCGAAAACGTCCATATT  
CTGTTCCACCGCAGATTACAATCTGACGAACTCCGCAAGATACGGCGGCTGGGATGATAATGGACTTGTAAGC  
GATTCAGATCAGTTCGGTAATTTTTAGTTTCCGTTGGCATCGATCATAAGAGACATTTGTTCAATTTCTCTTT  
GGGTTTTTATGTGCTCTGGCCACTTCCAGAGTTAAAGTTTCATCAATTGCTGTTTTTCCAGCTTCTGTTTTTGT  
TTGCTGTTGGCTTTTCTCTTGGATTGTTCTGTTGGTGAAGTATAGATGAGCTAAATTTACTTGGGAATAAAAA  
CGGGGGAAAGAGGAAATTTCTGGGTATCACGCTGAGAATTTAAGAAATTTGGAGAAGTTTTTGGCGGGTTT  
GCTGTCAAATTTGATAATTTGAAATGTAGCATACAGAACGCCATTGATTCTAGGGAAATTACACTTGGGGATT  
TAGAAAGCTATGTCAAAGTCTTAGAATCGAGTGATTTTTCAACCTCCAATGCTTCGAAGGTTGTTGAGGCCTG  
ATTAATAATGGAGGCAACACCAAAGCTGTTATTCTTGAGAATCATAAACCAAGTAGGAAAATTAAGACCTAG  
GAGATGTGGGGTTTGAGCTTTTGCAATCCTTTGGCAGTTTGCTTGGAGAAAAGTTGGTTGGTTCTAAGCCTAA  
CAAAGTGAACCAATGTTAAGCCACAAATGGCAATCAATTCTGTTGCCAATCAAGCTAAAGGACCTCAATA  
CCGTCTGAAGTTGGTTCATAAAA

>trans\_c\_3921 EF371503|Capsicum annuum thioredoxin H-type mRNA, complete cds

TCATCGGTTCTTTTCAAACGCAGCGTAGACTTTTGCAGAACAAAACAGATTCTTGTTAGATTCTCAATGGCCG  
AAGAAGGGCAAGTGATTGGGATTCACAGCGTTGAGGAATTCGACGCGCTCGTACTTAAAGGAAAGGAAACG  
GGTAAACTGATTGTGGTGGATTTCACTGCTTCTGGTGTCCACCATGCCGTTTCATTGCTCCAGTATTGCAGA  
GTTGGCTAAGACGTACCCCATGTCAATTTCTGAAAGTGGACGTTGATGAAGTTCAACCAATTGCTGCGAGG  
TTCAAAGTTGAAGCAATGCCGACCTTTGCTTTCGTGAAAGATGGTGAGGAAGTTAGCGTTTCGAGGATCGTCG  
GTGCTGACAAAGTGGGGCTGGGGAGGAACGTATCTGAGTTGTGCGGTCCAGTTCATCAACTTCTGTTGCAT  
AAATGGTCAGCTTGAAGCTCATTCTGCCTCTTATTGTTATGGTGTATTGTTGATGATTCTGATTTGAGTTTTT  
TCATGGATTTTCATGACAATATGTTTGAGATGTGTACTTGTGTTAATGAATGTTTGTAGAATAATAAATGTATAAT  
AAGATTTAATATATAAATTAGCTGTTTGAGCTTTTGAATTAAGGCAAGGCAAGGCAAGGCAAGGCAAGGCAAGG  
GGAAGTCTTCGGAATATGTAAGACTGTAAAGTTTATGGTTGCTTGAATTCTCATGTTTTTGTGTTGGTT  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3922 AY428735|Viscum album rRNA methylase-like protein mRNA, complete cds

ACCACTGTCTGAACCATTTGAATCTCTTTGACCAACATCCATGGCGTCCTGCCGAATCGTATCCCGTTCTTCTCT  
TACTCTGCTCCAAAGCTTCAGTCCCCGAAGAACTCAACGGGTTTTCCCTTCTGTTTTCTCCCCTCTCTACACCTT  
CCCTCTCTCCATTCTTCACTAACACACTCTCAAGAAGCAACCCTAATGCAGTTTCTTCAAGATGTTTCGCTTCA  
ATTTCCGCCGCTACATCTCCACTAGAACTAGCAGATATTGTGGCTGACGTAGAACCACCGGAGGTTCTACAC  
AAGACACGGTGGAGCACCTGCTCACGCATTCCGATGACGTTTCTAGGTTGATGAAGATGGAGCGGAGGCCGG  
TTGAGTTAGATGGAGCTGAATATCCACATAAAGGGCGGTGGTTTCCGTACCTGGATAAGTATAGCTTTGGAAG  
TTCTTGTTGAATAGTGGTGAGATTTTGGAGGCCTTGATTCTCTCATATTGGACACGAGGAAAGAGCGGTTTC  
AAGAACGTGGTGCGGAATAGAAGCTACTCGTTTGTGGTGGTGGAGGGATTGAGCGATTTTGGTAATGTC  
TCGGCCGCGTTTCCATCTGCTGATGCGCTTGATTTCAGTCGGTCCATGTGGTCTCTTGCACGCTTCCAAAAG  
GTGCAACAACCATGGAGGTACAGAGAGAATCGTCATGTTAGCATGGGAGCAGAGAAATGGTTGGACATTGA  
ACTTTGGAATCTACCTCAGAATGTTTTAAATTCTAAATCCCGGGTTATAGAATAGTCTCTACACATCTAG  
GAGCGAATGCGGTTTCTGTCTATG

>trans\_c\_3923 AB365529|Populus alba rps16-1 mRNA for 30S ribosomal protein S16, complete cds

AGGCGCCAGTTTCTGTTCTGTAATCTATCGTCATTTAGTTTGGCGAATTTTCAAGATTTTGTAGGGTTTTACG  
AGCTCGAAAATGGTGGTTTGAATTCGATTGTCCAGATTTGGTTGTAAGAACAAGCCGTTTTACAGGGTCATGG  
CTGCCGATAGCCGATCTCCTCGTGACGGCAAACATCTTGAGATTCTAGGTTACTATAATCCCTTACCAGGTCAG  
GATGGTGGAAAACGAATGGGTATTAATTTGAGAGAGTGAAGTATTGGCTTTCAGTTGGTGCTCAGCCTTCG  
GACCCCATGCAGCGTATTCTTTTTCGAGCAGGGTTACTTCCACCACCCCAATGGTTGCAATGGGACGTAAAG  
GCGGACCACGTGATACTCGTCCTGTTGATCCTTTGAGTGGGCGCTTCGTCACTCCAGAGAAAAAGCCAACCTGA  
TAGTTCCAATGGTGAAGTTGGTGATGCCGATTCATAGTTTTCTTTCAGAAGAATCTCGGGCTCTGGAATTATCA  
TTCAAATGTGATTTCCAATCATCCTGTTGTTGAGGTAAAATAGTTCAATAAATCGGTCCATTTACTTTTGATTA  
CAAGATGCAGTTTTTGATGGGGAATTAGAAAAAGCAAAGTAGTTTCAGTTTATTCTGGGACATTAATAATGGAG  
TCTGTAGATATTATCAACGTCCAATCCTCCAGTACCAAGGCATAGTAGGGTTGTTGGACTGAGCTTATTTACC  
GAAGACTAGCCATTACGTTGAGAAAAACATGACCTTGTTGTCTAATTTAAACATGATTAGATCTCTGTTTTGTTCT  
TTCTTTGTTATGTTATTTTGA

>trans\_c\_3924 AF178530|Malus domestica serine/threonine protein phosphatase 1 mRNA,  
complete cds

GACGGAAGAAAACAAATAAAGAGAGGAAAAAAGAAAATTTGCGTTAATCGAGTTGTTGCTGGTTTTGGGGTT  
CTTCGATTACTAGGGTTTCTCTGTAATCTTTTTCGGAAGAGGATCCGAGAATCTTTAATCCTGATGGCTTCGCA  
AGGACAAACAAGTATTGAACCCGCTGTACTCGACGACATAATCCGGCGCCTCACCGAAGTCCGCTCCTCTCGT  
CCCGGGAAACAGGTTCAATTATCAGAGAATGAGATCAAACAACCTTTGTGCTGCTTCAGAGAGATTTTATTC  
AGCAACCCAATTTGCTCGAGCTTGAAGCCCCTGTTAAATTTGTGGTGACATTCATGGGCAGTATAGTGATTTA  
CTAAGGCTCTTTGAGTATGGAGGTTTTCTCCAAGTGCCAATTATCTGTTTTAGGAGACTATGTGGACCGTGG  
CAAGCAGAGCTTAGAAACAATATGTCTATTGCTTGCTATAAGATCAAGTACCCTGAGAATTTTTCTTTTAA  
GAGGAAACCATGAATGTGCTTCAATTAATAGGATATATGGGTTTTATGATGAATGTAAGCGGCGGTTTAATGT  
GAGACTCTGGAAGGTGTTTACTGATTGTTTTAACTGTCTTCCTGTGGCTGCTCTTATTGATGAAAAAATTTGT  
GCATGCATGGTGGTCTCTCTCCGATCTTACAAATCTGGATCTAATAAGAACTTAGGCAGGCCAACCCCTATC  
CCAGACACTGGTTTGCTATGTGATTTGCTTTGGTCTGATCCTTGTCGGGATGTTTCAGGGTGGGGAATGAATG  
ATAGAGGAGTCTCTTACACCTTTG

>trans\_c\_3925 AY099592|Arabidopsis thaliana glutamyl-tRNA synthetase (At5g26707) mRNA, complete cds

TTGAGAATCATGGATATTAAGCTTTTTTCATTTCCGGCTGATAAACTCCATTCTCCGTCATTGTGGCCGCCAAG  
CTTGCCGGTATCGCTTTTCTTCAGATTCTTCTCTTCTTCTGCCTCCCCTCCCACATTTCTTCTCACTGACGGGTC  
AAAGTTGCATGGAGCATCTGTCCTTCTACGTTATATTAGTCGAGTCACCAACATTCTAATTTTTATGGGCAGA  
ACGCATATGAGTCTAGCCGTATTGACGAATGGCTAGAGTATGCTCCTATCCTTTCTGCTCTGGTTCCGCATTTGAG  
AATGCATGTAGTTATGTTGATAAGTACTTGGAAGATGCACATTTCTCGTTGGCCACTCTTGTGCTTGCAGA  
TGTAAGTGTCTGGTCTGGTTTAGCAGGAACGGGGCAACGGTGGGAAAGCTTAAGAAAGTCAAAGAAGTACTT  
GAATCTTCAACGATGGTTTAATCACTCTTAGTTGAATATTCTGATGAATTGGATGATGTTTAACTGCATTTGT  
TGGCAAAAGAGGTGGAAAGTCTTCAGGACCTAAATTGAAGGATCAACAGGGTCTTAAGACAAATAGTGTCAA  
CCAGGAGGCATCTGATAAGGGAAAAGCAGGAAGCAAATCTACCTTTGAAGTTGATCTCCAAATGTAGAGTTT  
GGGAAGGTGCGTTTGCCTTTTGCACCTGAGCCCAGTGGATATCTTACATTGGGCACTCAAAGCCGCATTGT  
TGAATCAGTATTTTTCCAGAGGTACAATGGTGAAGTAATTATCAGGTTTGTTCAAATGGTAAGGTTGATGG  
GGTGGGGATGATCCCCGTTT

>trans\_c\_3926 XM\_002303822|Populus trichocarpa hydroxycinnamoyl CoA shikimate/quinate hydroxycinnamoyltransferase (HCQ7), mRNA

AGGGCGATTTCAATTTCTCCCTAAAACTCATTGTCAATTTATCTCCATTTTTTTTCCCTTCTTTCTTCTCAATCG  
ATCGAGATGATCATCACCGTCAAGGATTCGACTATGGTGACTCCGGCGGAGGAGACGCCGCATCGGAGTCTC  
TGGAATTCCAACGTCGACCTCGTGGTCCGAGTATGCATACCCGAGCGTCTACTTCTACCGACCTACCGGCGC  
TTCTAATTTCTTCGACGTCGAAGTTCTCAAGGAAGGTCTAAGCAAGGCGCTGGTCCGTTTTATCCAATGGCTG  
GACGGTTGAGACGCGATGAAGACGGTCTGAATCGAGATCTATTGTAATGCAGAAGGTGTGCTTCTTGTGAGG  
CTGAGACCACGGCGGTTATTGACGATTTTGGTGATTTTGCACCGACGTTGCAGCTTCGGCAGCTTATCCGGC  
CGTCGATTACTCCGGTGAATGAATCGTATCCTTTGCTGGTGTGTCAGGTGACGTAATCAAATGCGGGGGT  
GTTTCGCTCGGCGTTGGAATGCAACATCATGTGGCAGACGGATTCTCCGGTCTTCACTTCGTCAACACGTGGT  
CCGACATGTCGCGTGGCCTCGACCTCAAGCTACAACCTTACATCGACCGGAGCCTCCTCCGCGCACGCGACCC  
ACCTCAACCGGCTTTTCGACATATCGAATACCAACCAGCACCAGCCATGAAAAACCCGGTCCAAGCCGACCCG  
GAAGGAACCACGCTCTCATATTCAAATTCACCCGGAACAGCTTAATCTACTCAAAGCCAAATCCAAAGAAA  
ACGGCAACACCATCAACTACAGCTC

>trans\_c\_3927 NM\_125017|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family protein (AT5G56340) mRNA, complete cds

TTTATAACGTTGAATTCTCTCTCTCTCGTGCGCCACGGCTTCCTCTTATTCAATTCAATTCGCCGTTTCTTGTGCG  
GACCGACCGCACAGATTCTGGAATTCCTCAACATACGCTTCGGTTTTCAAAAAACAGAATACCGGAAGGCTG  
CGTGTGATCATCCCCTACTACAATAACAATTCGTAGAGGAGACGATGGACGAGTTAATTGCAACCAGATATCG  
GTGTCACATGTGTTCTCAAATGGTGAATCCCATCGTTGACGTGGAAATTAATGCCCTTCTGCCGCAGCGGCT  
TTGTTGAGGAGATAGGAAACGGTATTTCCAGCGACAATAACGATAACAACAACAATAACAATAACAATG  
AGCTCGAATCCGATTTTGGGTGCGAGCGAGCTTTGTCTCTCTGGGCTCCGATCTTGCTGGGTATGATGGGAAA  
TCCCCGTGGGCGACGAAGATTCAGACATCTAGAGTTTGACGACGACGATGATGATAATGAGCATGAGGATGG  
AGAGGGGAATCATGTGAGTAGTGAGACGACTGAGCTTGATTCAAGTATTAGGAGGAGGAGAAGTTCAGCTA  
CCATTCTTCAGTTGCTCCAAGGTATCAGGGCTGGAATCGCAACTGCTGAATCAGAGAATAGTTATGAGGGAGA  
GAGGAGCAGAGAAAGAGAGAGGGTTATTCTTATAAATCCTTTCAATCAGACCATTGTAGTTCAAGGAGGTGA  
GAATCAAATCAAACCATAACTCCATTGGGTGCGTGGGTGATTATTTCTAGGACCTGGTTTGGATTGTTAT  
TGCAACATATAGCCGAGAATGATCCCAAC

>trans\_c\_3928 AF517156|Cucumis melo 17 kDa phloem lectin Lec17-1 mRNA, complete cds

GATCTCATCTCCATACTTGTAACCAATCAAGGATCTTTATACAACATTTTCCCATTCTCATCTTTATTTCTATATC  
TCTATCTCCTTCATCCAAATACTATTTTAATGGCAGGCCAAAGCACACACTATGTGGCATATCCAAGAGCTGCC  
TCAATAACATGGAGTGATGACACTCGATACTGGAGTTGGGCCCCTGTGGATTTTTGCGGCTACCCAATTGAAG  
AAGCCCGACTTTTGCAAGTATCTTGGCTCGATTGTCGTTGGACCATGGATTCTAGTTTCAAACAAGATGTT  
TGGTACAATGCAAGCGTTGATGTAATGATGACAAACACCGCGTCTGGATGGAATATTCCACTGAACATTGAAA  
TCGATATGCCAGATGGGAGTAAGCAAGAGTCTCAAATAGTATTGGCGGGCAAACAACCAATGTGTGGTTCA  
AGATTCCATTAGGTAAATTCATAATAAGTAGTTCTGTGACTAGTGGGATAATTCGATTTGGCTTCTACAACCAT  
GGAGGGCATTGGAAAAGAGGGTTAATCGTGAGAGCCCTTCTCATCCAAGCATAAAGATGAGTTTGAAATGAT  
ATGTTACAAAAGTAATAGCATAAAACACTAAATAATAAGACCTTTTGCTCTACTTGCAAAAACTTTAAGTTTAA  
ATGGGTTCATTTAGCTATGGTAAATGCTAAATATAATGTAACACAACATAAAAAATAAATAAATAATATGACAT  
TTTGATAGTAGCATTAAAGTCAGTTTAAAACTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3929 AL161575|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 71

TCGGTAATGCAGGTGCCCCATCAGTCATTGGGAGTTGTATTTCAAGCAGTGCAAAAGGGAAGAGGAGTGAAA  
GGGATAGAGATGGTAAAGGGCATAACAGAGAGGTGTCATCTAGAAATGGAACATAAATTGGTAGGCCAGGA  
TTATCAAATACTAAAGGGGAAAGAAAACTAAGACAAAGCCTAAGCACAAAAGTCCAGTTATCAATTTCTG  
TTAATGGCCTTCTAGGCAAGATGACAGAGCAGCCAAAATCGACATTGTCTCCTCTACCAAAATCAAGTACTTCA  
AATGTTGGTTCAAAAGAAAAAGATCAATTTGGCTTGGATGGACTTGATGACCCCGACTCAATAGATTTATCTA  
ATCTTCAATTACCAGGAATGGATGTATTAGGTGTTCTGATGATCTTGATGGCCAGGGTCAGGATCTGGGTTC  
ATGGTTAAATATTGATGAGGATGGTTTACAAGATCAAGACTTCATGGGCCTTGAGATTCCAATGGATGACCTC  
TCAGATTTAAATATGATGGTTTGAAGTTTGCCTCCTTGATAGTCTTCAAGTCTTGTTTATTAATACTTTACAAA  
CTAAAGGGAAATCCTACGTAAAGAGTGACTGGTAGTTGCATAGTTATTGGCTACCGATCCAAATTAGGTTACT  
AGATTCTTTGAGACTCCTCTTCAAGTTATTTCAAGTAAATCTTTGGATGTTTGAATTTTGCTCCTGTATTTAGT  
TGGTGACTTTGACTGTAAAGATAGTCTTGTTCAGCTACAAGTTAGTATAGTCATAGTGATATTTAGGGTACAC  
AGTATCCTTCATGTAGCTTTTGA

>trans\_c\_3930 XM\_002891754|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRPABC16.5, mRNA

TCGTACTACCGAGTCACGGTGAACCTCCTTTTCAGTGAACGAGTCACGCCCCCATTTCTTCCACGAAGTCCCT  
ACGTTTGCCCTAACCCCTCGCCGCTCCTTGACGCCGTCGGTTAGCACTAACTTTTGACAACAAAAGTCTGTT  
GAAGGATGGTTGAGCTTCTATTTGACGATATTTTAAAGATCGAGCGATTAAACCCTGATGGTAAAAAGTTTGA  
TAAAGTTACTCGAATAGAGGCAAAGAGCGAGAAGTTTGACATGTTTCATGCATCTAGATGTAAATTCAGAGATA  
TACCCACTGAAAGAAGGCGAGAAGTTCTCGATGGCACTAGCTCCAACCTCTGAATCTTGATGGAACCCCTGACA  
CTGGATATTTTCTTCAGGGCAATCGGAAGTCGCTTGACAGACAGATATGAATATGTCATGCAAGGGAAGCTGTT  
CAGAATTTAGAAAAGTTCTGGCCATGGTGGAAAAGCTGAAATAGATGCTTCTTTGGTGGACTTTTGATGATG  
CTGAAGGGAGATCCCTCACATTGCAGCAAGTTTGAACCTTGACCAGAGGCTATTTCTTCTCATCAGGAAGGTGT  
GAAGCGACTTTTCAATTTGATTGAACTCTAATGATTTGCTACAAAAGCTCTGGGCATTGCATATCGCTATCAAT  
CTGTGAATGTTTAGTAATATGTATTGTTAGAATCAAATTTCTATCTGTATCTGATTAAAGATTGGGCAATGATCT  
TATCTTCTGAATAAATTGATATCTTGCCTATAATGTCATGAATAGTAGCAGAACCTTTCAAGTTCTCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3931 NM\_112598|Arabidopsis thaliana HS1 (HEAT STABLE PROTEIN 1) (HS1) mRNA,  
complete cds

ATACTCATGTTTGAATCTCATTTGATTAAATGCATCATCACTTGAAACGTGTCCTCATGTTATCATTGACACAC  
TTTATTTCAATCAAAACAATAACCGCTTTTATTTACATCCTATTGGCTTCTACCCCTTCAACTACTTTCTCCACAA  
TTATTATTTTCTTCTTTCTTTTCGATTTGAAAACTGCCCTAATCTTCCAACCAATTAGCTCAATGGGGGAA  
TCCAAAGGCGTGGTCAAGCACATTTTGCTTGCAGAAATTCAAAGATGGAATCTTAGAGGAACAGATCGACCAAC  
TCATCAAGGGATATGCCAATCTCGTCAATCTCATTGAACCAATGAAGGCTTTCAGTGTGGCAAGGATGTTAG  
CATTGAAAATCTACACCAAGGTTTCACTCACGTCTTTGAATCTACCTTTGAGAGTACGCAGGGCATAGCTGAGT  
ATATATCGCATCCCGCACACGTGGAATTTGCAAATAAGTTCTCTCTTCTTGGACAAAGTTATTGTTATCGACT  
ACAAACCGACATTGGTTTGCAACTAATTTGGAGGCTAAATGTATGGTTGCTGTAAGTGAAGGAAATATTGTTA  
TGCTGTCCTATGAAATAAATGTGAGCCCTTTTAAACATAAGCTTAGATGATGCTTATACTAAAAAGGTTTTG  
TTATTACAGTTTATTTGTATGAAGTCTGTACCAGCCGTTCTGCTGCTTCTTGTGCTGATCTGCACAATGCA  
CTTAGTTATGAAATGATTGTTTTGGTTTATAATGAACAAATCCTTCTTTGTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3932 Novel Gene

AACCAAATCTTCGGCAAACCTACAAAGCTTCTCTCCTCGATTTTATTATTATGATTTTTTTTATTTATTTTAATA  
TTTCTCAGTGTTAGATCTCTTAAGATTTGAACATTTGTCTCTTCATTGATTTTATTTGTTGAATTTTCGAACGG  
AGAAAGAAGCCTAATATTGCAATTCTCTGATCTGCCGATATGGAAATCGATCAGAGAATCTATCGTTAGGCGA  
TACGGAAGGTGGTATGCATATAACTTCTATGTGTATTTCTCCCTTTAGCTCCGAATCTCCTCCTTCTCTTCTG  
GAACAGTGGGATGTTTCGGTGACAAGGTAGATACATTCTGTTATTCCTTCTGATTTCTTCGTTCTCATTCCGGT  
TCCGTAACTTTCTTAGATTAGTTTCGTTGATTCGTTGTTGAATTCCAATTTTCTTTGAATCTACCGTGTTTG  
ATATCGATTTCTTCGCTTGAATTCGATTTTGTGATTTTCTTACATTAGTTTCTTATGCCTTCCATTTTTTAA  
TAAATCTTCCGTGACTGGTATTGATTTTGTATTCTTCTGTTTATGCATTGTATAATTTATTTCTTGTTAATTG  
GATTTGGTTTTTGATGTTGAGGTTTATGATGTGAAAGGATGAAAAAATCAGACGGATTCCCAATGATAATCC  
ATGATATTACAACAGCTACTTCTGATCACATCAAAAATACTTTCTAATCTCTTTTTTCACTTCTGATTTTCCACT  
CTTTTCATTGAATGTATGAAAGATTTGTTTGTATGTTTTTTTTGTTTCTATTAACGAGGCCGGTGATGTGATT

>trans\_c\_3933 NM\_112071|Arabidopsis thaliana ITN1 (INCREASED TOLERANCE TO NaCl); protein binding (ITN1) mRNA, complete cds

GATTTAAAAAAGAAAAAGAAAGGCTAAATTCTTCGACTTAATTTCCAAGCGCTTTCCTCTGCTCTCCTTTTTC  
CTCCTCCATTGTTTTATCTGAATTCCTTTTTCTCTTACTTAATCTGAAATTCATCTCTCTACTAACTTTGCACCC  
CCAATCTGAGCTCTCAAATCCTCCATTTAAAGCTTTTGAGAACTTGAAATCTCTTGAATTCCTGATGGGCAGTTCT  
TCAGCTCAAGTGGTAGTGGATGGCGATGGTGATTTAGAGAAGGGGATTTGAGTTTATCATCGAATCAAAAC  
CCTCTGGCTGAGTTATCGCCATCGCCCTCTCCGTCGTCGACTGCAACGGCTCCGGCTCTTGTTCTATCCAATTCA  
GGGAAGCGGATGGACCAAGCCGGAAGAAGAAGTACGTGAAACAAGTAACAGGACGCCACAACGATACTG  
AACTTCATCTGGCGGCGCAACGGGGAGATCTAGCCGCCGTGAAGCAGATTCTTGATGATATTGATTCACAGAT  
GGTGAGAAATCTCAGTGGTGCGGATTTTGATGCGGAAGTTGCTGAGGTTGATCATTAGTAGTGAACGAGGT  
CAACGAATTGGGAGAAACGGCTCTGTTACCGCCGCAGAAAGAGGACATATAGAGGTTGTTAAGGAGCTATT  
GAAGTATTCGAATAAAGAAACACTTACGACGAAGAACAGGTCTGCTTTCGATCCGTTGCATATAGCTGCAAGT  
CAAGGACACCATGCTATTGTTCAAGGTGCTTCTTGAACATGAACCTTCCTTAAGCAAAACCTTTGGACCTTCGAA  
TGCGACTCCACTCATTACTGCTG

>trans\_c\_3934 EU096497|Cucumis sativus cultivar Jinyan 4 stachyose synthetase variant 2 mRNA, complete cds, alternatively spliced

CATAAAGACACATTTATTTAGTACAAACAAAAATCCAAAAACATAATTCCTCTTTCAAAGGAAAAATCTTCAA  
AACAAATCTCAATAAAAAATAAAGAAAAAGTTGAAAAATATAACAACAACAACAATGTTGATGATGATAATGATA  
AAAGCCTTTTATTTAATTGACATGGCTATTCCTTAGCACACATGTCACTTAACACAAGACAACAAAATGCATAA  
AATTAATAAAAAATTCAACTTAGATATTAACCTCTTTTTCTCTCTCTCAAAAGAAAATATCCAAATTAGAAATTC  
CACCAGCTTCTTCAATCCAATGAACATCAAAACTCAGCTTTCATCGGAATTCATACAAATTCAGTTCAGTTC  
CATTCGACAGGCATTTCTTCGGTGACCCACTTGAGTAAGCCAAGAAATTTCTCTCTCTTCACTTTCAATTCTA  
CTCCATTTTCGTTATACTTCAAATGCTGAATGGTTCCTGAAGTGTGAACATGTTTCGTGAGGCCAATGGGGGCG  
AATTTGATGTTGGAACCTAGCTTTCTTAGCGGAATGAAATTGAAGAGTTCGAATGTGGATGGTTGAATGGTCG  
CTTTAGCGGTTTCGGATTTTGGGGTCGTGTGGATAATTTGTTTCAGCTTGGTTCAGGTACACAATGTATTCGACG  
AAATTCCTTGGGGCTGCTTCTGGTTTTGGTCCATTCTATATCATTGACATGTACTGTTGTGGACATTGGT  
TTGTAGCATTCTGGATGTCCCTTGATTCTTTGTTCTTTGGGTCCCACCCTGCTCCTTGGCAGTTGAAAGTCCCA  
ATTACGCCTCCATA

>trans\_c\_3935 NM\_001051059|Oryza sativa Japonica Group Os01g0798500 (Os01g0798500)  
mRNA, complete cds

ACATTTTGTGAAAAGTACAGGACTCCCATACCCACTCACTCCGGCTCTGCCCACCAATCTATGGCAATGCAACA  
AATGGGGTATTAGAAGCACTCTTAATAGTTGCCAGAAGAACAACAAATGGGGTATTGAAGGACGTGTTTCGG  
CATTCAATACTTGCCATCTCATAAATTCATCAAGAACTCATTCTGGCCCTTACATGAAATTGAATGCATTACAAA  
CTCGATAGGTCATAGACCACCATCACAGCCACCAATCGTCAGCCACGTCTACTGCCACCAATCGTCAGCCACGT  
CTACTGCCACATAGAAGAAGCACTATTGAAGAGAATTGTAGAAAAGGATTAGAACTACTGAGATGCCAATTAT  
CACCGGAAACGCTGTCACTATGTACAGTGCTCCATATCCACACCGGCGGGCACTTCTGGGTCATACCCCAAG  
TCGGCATCTTCAATCTCAGCTGCAGTGTCCTCAATCGATGTTTAGTCTCTTGTGCTGCCCTCCGAGGATTACACCA  
GTGTCTGTGGCTTTTGCATACAACGATTTACTGCGTCTCTTCTTGGGTGCCTCAGCCTCCAAATTGGGCCATTTG  
GTCATCTCTTCAGCTAGCATTTGGAGAGCCACTCGACTTTTTGGGAACCTTCCTTCATTGACTTCTTCGAGAGTG  
GCGGCTAAATCATCCCTTGTGGGGCGTCATCCTCGTCAATTCCAAGTAATCTCCGGCGTTCAACTTCCCGGGG  
GTCTTCAATCATTACGGTAAGTTTAACCAGAGTCCACAGATATAGCAGTGAAGCATGCGTTAATTCCAAGAGA  
AGGGAAAGGAGTTGTATG

>trans\_c\_3936 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

GCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGAGGAGAGAGAGGGATTGAAACCCTCGATAGTTCTTTGTTTCGAAAGCGC  
CCGGTTTTCAAGACCGGAGCTATCAACCACTCGGCCATCTCTCCGAAAGATAATTTCTATTTTATTTATATTCCA  
TCCCATCGAATAGAAGATTGACATATAAGTTGCTACCATTACTGTCTATACTATAGACAAATATAAGGCGTGAA  
TCTATAAGTCTATCTCTATACATATAGATATATATGATCCAGTATACCCCTTTTTGTGAAGTAAAAAAGACTAC  
CCCGCAATCCCATGCATGCTAAAGTATTAAGTAAGTAAGTAATATAGAATCAATGGATTTATGGTAAAT  
CCCTCCCTGATACATTTTATCAAATTTTGGCTGGCTGGTAAAGGGATCAAATGGTATATTTTGTGGTAGATT  
GGAGGATTAGAAACATGACTATTGCTTTCCAATTGGCTGTTTTGCATTAATTGTTACTTCATCAATCTTACTGA  
TTAGTGTGCCCCGTTGTATTTGCTTCTCTGAAGGTTGGTCGGGTAACAAAAATGTTGTATTTTCCGGTACATCA  
TTATGGATTGGATTAGTCTTTCTGGTGGGTATCCTTAATTCTCTTATCTCTTGAACCTCTTCGTTCTCGATACAAA  
AATGAAACGACCCTCCCTAATTTCTTGAATTGTGAGAGACATTAATAACAATATAAGTCCTAAAAATGAAA  
AATGCAATAAAGAAAAAATTTAGAGGGAGGGGGTCTCTTCTTGTATTGTCAAATGAATATATCTCACA  
TAATTCATATAAAAGC

>trans\_c\_3937 AY058877|Arabidopsis thaliana At2g04410/T1O3.18 mRNA, complete cds

CTCTCAATCAATCATACACCCAAATCAACACATCTTCTTCTTTTCTTCTCTCAACCCTCACTCATGGCGGAAAA  
AGGCAGTAGCAGTCCATTGCCAAAGTTCGGTGAATGGGATGTCAATGATCCAGCATCCGCCGAGGGATTAC  
AGTAATCTTTAATAAAGCCAGGAATGAGAAAAAGACTGGTGGCATGCCTGACTCTCCAGCAAAGGATGAAAC  
AGCATTCAAGAATGGTTCTGTTCTTGAAAAGTCTCAACCTAAAAAATGGTTTTGCTGCTTGCAAGCTGCGGAAT  
CGTGAAGTTTTGGGTTCGATAAAGGGGGTTCAGCAGAATTGTATAATCTGAAAATTCTGAACAACACGAGT  
GAAGCTGTATTTAAACCTGTGATGGATAACGCTGGACTCCATTTGTTAGAACTTTTGTCAATAATTTGGGGGT  
CTGGTTGGGGATGAGGATGATTAAATCTAATCTATCATTGTCTTGTTATGTTGTTCAATTCTGCATAAATGACAA  
TTGTTGAAGATTGTTGATTTCATCATCATCCCTCCTCCCCGCTACTTGTGAAATGATGTTGTTTGTGACACTTTT  
TTGTATGAATGATTTCAAATGTCTATCTTTTCTATGTAGTCTCAAATTTTATGCAAAGGGCTGTTTCATATCCCCT  
TCACACACCTTCCATTTCAATTCATGTGTGGTCGGTTATTGAAAAGTAGACGATGTTGAACTATTTGTTTGGTT  
TTTCAGAACAATTAGGTTTTTTCTTTAAAGAACTTGAACGACAATGCTGGTTCATTATTAATAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3938 AY070401|Arabidopsis thaliana At5g02770 mRNA sequence

AGAAAAGCCGTGCCCCCTCTTTCACGCGGCAATTCCCCTTTCAGCTTTCGTGGTTCGCAAGCAGCTCCGATTA  
GGTTTCCGGTCTCAAATCCGCTCATCCAATGGCCACGGTAGCACCCGCAGGACTCAATGACATTAGCAATAGC  
AAGAACCCGCTTGAGAGAAAACCTAGTCAAACCTAGAACCGACGATTTCTTCATCTGCTCAGACTCCTGCCTC  
CGTTCCGCCTTCGTCAACTGATGGCGGGTCATCCAAGGAAGGGGATGAATCCAAATGCTCCGGTAAGCCGTC  
GGCTGGAGATGACGGTGACCGGTTTCTGATGTTCAAAGGAAAATGCGCCGTGCTGAGCGTTTTGGGATTTT  
GGTGCAATTGTCTGAAGAAGAAAAGCGTAATTCTCGAGCGGAACGGTTTGGTATGGGTACCACAATAATGG  
ATTGGGAGCATCTAACAAGACAGAGGAGGTGAAGAGAAAGGCTAGAGCTGAGAGATTGGGCTTTCTGCAT  
CTGTGACTACTGATGACGAGGCAAAGAAGAAAGCACGTCTTGCTAGGTTTTTCATCAACACCAAAGCCAGACCC  
CCAGGAGGAAGAAAAAAGGAAAGCAAGAGCAATCAGATTTTCTAATCCAACACCAAATCTGTTACACAAGT  
GGATGGGAAAGGAAACGTTGAGACGATTGCAGATGTTGCTGGCAAGTCTGGAGGCGGTGCCTGAAAAAAAC  
ATTCCCTTTTGATGGCAAGATAGCTTTTGCTTGTAATTTTTTTTTTGTGGTCTAGTATCCTGGCTAGGGATTCC  
CTGTAATGGCTTCCATACCCTTGTGCATTCCT

>trans\_c\_3939 NM\_118819|Arabidopsis thaliana VTC2 (vitamin c defective 2); GDP-D-glucose  
phosphorylase/ GDP-galactose:glucose-1-phosphate guanyltransferase/ GDP-galactose:> (VTC2)  
mRNA, complete cds

TGCAGCCCCATTCAATCCCCCATTTTACCACTTCGTCTTCTCCTTTCTCCTTCGTCTTCCAGTTCGGTTTTCCCCA  
TCTGGGTTCTCCTGATTTCTCTTTAAATCAACTACCATGTTTCGACTTTGAGGAACTGGTGCGTTGGAATTGA  
GCTTTCGAAGGAGATTTATTGTTTTATCACAACCCATCTGCTCGAGGTAAGGGGTAAAACCCGGGTTCTGCA  
GGCTGTAGACATCACGGCTATACAGTAGTTCCCGGTCGTTCTTTCATGTCCGGGCTGTACGACGGAAGGGT  
TGTATAACTCCGACAAACCTTCGCCGCACGGCGGACGTGGTGCTTGCCTTCCGAAGGTGGTAGTCCTTCTG  
ATCTTCTTTTTCTCGCCGGCGGTGGATTCTCTTGCTTCTTCTTCTTTCGTATTAGCTTTGCAACGAGTCCGTTTG  
TGTTTTAGCTCTACCGGTTTAGGATTTGACATCAGCAAGTTTCTGTTTTGCGTTTCTTTGTTTTGGGTGGGAGA  
TTTTGGTGTTGGGTTTGGTTTGAATTAGAAGCAGACGATATGTTGAGGATTAAGCGTGTTCTACTGTGGTTTC  
TAATTACCAAGAGGACGAGACAGAGAATGTCTCTCGCAGAACAGGGTGCGGCCGGAAGTGTCTTAATAAGTG  
TTGCATTGAAGGAGCCAAGATTCCATTATATGCTTTCAAGAAGCTAAACAAGATAACTGGCTCAAAGGCTTA  
TGCTGCGAATATGAGAACAGTGTTCTCCTGTTGCTTTTCTTGACTCTCTGCTTCTTGGCGAGTGGGAGGACCG  
GATGCAGCGGGGGCTTT

>trans\_c\_3940 AY108128|Zea mays PC0082816 mRNA sequence



ACGTATTTGCGCTACGGAAATTTTGCATCTACAAAACCCTACTCGATTGCCCAGCTCCTCTCTGCAACTACCATC  
GTTTTCTTCCCAAACTAACTCTCGCTTCTTCTTTTCGGAAAGGCGATCAATTGAAATGGCAGCAGCTAGGA  
CCGCCGCTAGAATCTTTTCCGAAGGTTTTCGAGCAGCGGGAAGATACTCAGCGAGGAAGAAAAGGCTGCTG  
AGAATGTCTACATCAAGAAAACCTGAACAAGAAAAACCTGGAGAAGCTTGACGCAAGGGACCTAAACCAGAA  
GAAAAGATAGGAGAGTCAGTAGCCGATTCCGTTCCAAGCAGCTCTGCCTCAGGTTTCATCTCAGCCTCAGCCT  
CAGCCTCAGCATCAGGAGCATCATCGGAGAAAATATCGACTGACAAACAACGCAATTATGCTGTTGTAGCTGG  
AACTGTAACCTATTCTCGGTGCTCTCGGATGGTATCTCAAATCTAAAAAGAAGCCAGAAGAAGTCCATGATTGA  
GTTAACCAATGAAGTCATTTTCATATCATTAGCATCTGAAGCTTGGGAGGTGAGATTTCTCCTTCTCTGCTAA  
ATAAACCAAAAAATCAAGATGCATATGGATCTTGGTTAATGAATACATTATGTTTCATATTGACGTTTCTCCTGA  
AAATGGTTTTTTGGCCTTATTTCTGTTTACTTTTCATGGAAAATTGACCCTGAGACAGTGACAGGATGAGACATG  
CTCTGTGACAAAGACTTGGTTTTATTGGATTTCATTTTACATTCTCTCAATGATGATATTTGAGCAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3941 NM\_001125305|Arabidopsis thaliana CPuORF61 (Conserved peptide upstream open  
reading frame 61) (CPuORF61) mRNA, complete cds

TTGCTCCTTCGGAGACAGCTATGACTGATGTTCTTCGTGAGGTTTTAATCATGAAAATGTTGGAACATCCCAAC  
ATAGTCAATCTGGTTGAAGTGATAGACGATCCGGAGGATGATCGCTTTTATATGGTTCTTGAATATGGGGAAG  
GCAAGTGGGCTTGTGAGGGTTATGATCCACCACGTGGTCTAGATGGAAATATTGCTCGGAAATACTTACGTGA  
TATTGTCTCGGGACTGATCTATCTCCATGTTTCATAATATAGTGCATGGTGATATAAAACCAGATAATTTGTTGA  
TAACCCCTTGACGGTACCATAAAGATAGGGGACTTCAGTGTTAGCCAGGTTTTTGAGGATGAAAATGATGAGCT  
TCGCCGTTCTCCTGGAACCCCTGTTTTACTGCACCAGAATGCTGTTTAGGTATTACTTATCATGGCAAAGCGG  
CTGACACATGGGCAGTTGGGGTGACCCTGTACTGTATGATACTTGGTCAATATCCTTTCTTGGAGAGACGCT  
GCAAGATACATATGATAAAATTGTCAATAATCCATTATTGCTGCCTGATGATATGAATCCCCAGTTGAGAGATT  
TATTGGAAGGAATTCTATGTAAAGACCCTAGCCAGAGGATGACACTGGAAGCCATATCACAGCACAGCTGGC  
TTATTGGAGAAGAAGGTCCAATCCCACAATATCTATGCTGGTGCAAGCGCAAGAGTTTGGTGGTGGGAAGAAC  
AACAGTCAAACCTTACAACCAGAAGAAAATGGGAGTAAATACAATGATTTTGACGTGGCTCCTCCTAATTTGTC  
TATGTAGTGATTGGATTTNGTGGTGT

>trans\_c\_3942 NM\_121987|Arabidopsis thaliana emb2734 (embryo defective 2734); binding / lyase  
(emb2734) mRNA, complete cds

TGCTGATTCTGATAATGATATCGAGGACTCTGATGATGATAGCATGGAAACAATTACTCTTGGGGACAAAAGA  
ATAGGAATCAAGACTAGCGTTCTCGAAGAAAAAGCTACAGCTTGTAACATGCTGTGTTGCTATGCAGATGAGT  
TGAAGGAAGGGTTTTTCCATGGATCGATCAGGTTGCCCAACCTTAGTCCCACTTCTTAAATTTTACTTTCATG  
AAGAAGTCAGGAAAGCAGCTGTTTCAGCAATGCCGAGCTTATTCGGTCTGCAAAGTTAGCCGTTGAAAAGG  
GGCTTGCTCAAGGGCGTAATGAGACCTATATAAAACAGCTGTCAGATTATATAGCTCCAGCCTTAGTTGAAGC  
TCTACATAAGGAGCATGATACAGAGATTTGTTCTAGTATGCTGGAGGCGTTAAATGAATGCTTACAGATATCT  
GGATCACTTCTTGATGAAAGCCAAGTCAGGTCCATAGTTGATGAGATCAAACAGGTGATCACTGCCAGTTCAA  
GTAGAAAGAGAGAGAGAGCAGAGAGGGCCAAGGCGGAAGATTTTGATGCAGAGGAAGGAGAATTGATTAA  
AGTGGAATGAACAAGAGGAAGAAGTCTTTGATCAAGTTGGTGAAATATTGGGAACCTTTGATAAAAAACATT  
CAAAGCATCTTCTTGCCTTTCTTCAAGAACTGTCTACATATCTAACGCCTATGTGGGGGAAAGATAAGACGC  
CTGAAGAAAGAAGGATTGCAATTTGCATCTTTGATGATGTTGCAGAGCAATGTCGTGAAGCAGCACTGAAAT  
ATTATGATACATATCTTCCTTTCTTACTGGA

>trans\_c\_3943 AY106290|Zea mays PCO139213 mRNA sequence

CTGCTGAAATTAGTAAATCAAATAACAGGACTCAGTGGTGATACTCTGCCAGAGACTCTTAACCTTAATCTCGC  
AAGGCTCCGGATGGTTCAGTCTCGACTACAAAGGATTATCGTCATTTCTACCAGCTTGTTGGTCATGCGCCAAA  
TTCTTCTCAACGAGAGATTGGTATCCAACCTGAGTGAAGTCGACAATATATTATCGGCATGTGCCAAACGTCTC  
TGCATCCTCCTAGACAATGTAGAAAACGCAGGAATAGAGGAGATTGTTGAAGCCCTCGGTTGTGTATTAGTTG  
ATCGCATTTTCAGACCCTGAAAACTCCAAGCAAGAAAGCAGATCATAGCAAATATGTTGATAAAAAGCTTACA  
AGAAGGCGACGTACATACACCCGGGTTTCACGGAACATTTATCTGGCCATGCGGGGTGTTGTGCTAGGAGG  
AAGTGGCCGAAAGGGAAGGCAACAGGCAGAGGCGGCTCTTGTGCCTATAGGAGCCGGAGCTCTTACGAAAA  
AGGTGGTTGAAGCAGCAGAAGTTCTAGTTGTGATGGCTGTTGTGTCTGTAAATGTTTCATGGAGATTGGTATAG  
GGAATTGATTAAAAAGTGGTGAGATTCCTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTAATTTGTGAAATAGAAATAGTTTGT  
CATGTCTAAAATATTTGTACATAAGTTAAATGCAACACAAACAAATGAAAGAGAGTATAGGAATGTTTGTTGT  
GTAATGGAGGTTAGAGTTTTCTAAGATTTGTATATTTGTTTGAGTTTCATAGCAAAGATCAAATATTTCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3944 NM\_118362|Arabidopsis thaliana SWIB complex BAF60b domain-containing protein  
(AT4G22360) mRNA, complete cds

TTTGTCAATTTGTCTTTCTACTCTCACAGAAAGAGAGAGAAAGGAAGAAGCAGAGAGACATAAAGGGAGAGA  
GAAAGAGAAGACAGAGAGAGAGTTCTTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAAGGACCGTTAATTTCCGTTAATATAT  
GAAGCAATTTTGAGAGCTACAAGAAGCTAAAATGGTTACAGACCAAGAGCTTTCTCAAGCTATACAATGTCTT  
CTTCGCGACTCTGCTTCTCCTACAAACCCTAACCTTTTTCTTCTTAAACGCTGTTGTTTCAGGAGTTGCAGACC  
AAGCTTGGTCTTGACCTCTCTCATAAACTCGATTTTCATCCATGCCAGATCCAATTTATCCTTCGTTCTCATCCTC  
AACAACCCCATCATCACCAACATCACCAACCACCACCACCATCAGCAGCAGCAGCAGCAACAACAACCTACCCTCT  
TCGCAGAAAGACCTCTTTGCCCTTCATCAAAGCCCTAATTTTCAATCTGCGCCTTCCCCACTTCCTCTGCATTTT  
ACACTTTCACTGCTCAGCCTCCGACGGCTAAGGCGGATTCCGTCGTTGCTCCCACTGTTCCGGGCTCTGACCCG  
CCAAAGGAAAGTACCCAAACCAAACTAAGAGAAGAGGAGGCCCGGGGTCTAAACAAGCCTTGTTGGTGT  
TTCTCCTGAACCTCAGGCTATTGTTGGCCAACCAGAATTACCGCGAACTGAGATAGTGAAACAGCTATGGGCA  
TACATCAGAAAAACAACCTACAGGATCCAAGTAACAAGAGGAAAAAATATGCAATGATGAGTTGCGGTTG  
GTATTTGAAACAGACTGCACTGA

>trans\_c\_3945 AY935269|Antirrhinum majus plena (PLE) gene, complete sequence

ATGGTCGAAGCTCCATCCCTGGGTATGGAATTCAATAGGGTTTTGCTGGATTTTCAATTCCAATCCAAGATGCC  
GTTTCTAGACTTTAATTTGCGCCCCATTGGAATAATCTCCTAATTTTTATTCTTCGTTTGCACGATGTTGATAAGT  
CTACTCTAAGACTTGAAGTTTCATCTGGAAGTGCATGCTAGATTGTTGCTTCAGGATGAATCATTAGCTTTC  
AACGCTGCTTCTGATGGCTGCATAAGTAGGGTAAAATCATGAAGATCCACTAGCACAAATCTCCTTTATAATCA  
AGGTTTATCGCGTGCCATGCAGAATTTCTCATTAAATTGGACAGCAAGGAGATAACGATCTGCCAAAACAAT  
TCTCTACTATATTCAGAATGTCTACGTCCAGTTATTGTACCTTTGTTTGGGGCAATCTTGTAACCTGGAGGAGTA  
AGAAACAAAGTGTTGTGGCCAGGAGCAGTGCTGAGGCTGAATACAGAGCTATGAGTCTGGGAATATGTAAG  
GAAATTTGGCTCCAGAAAGTCTTGTCAGATCTCTATCAGGAATGTGAGACACCATTGAAGCTTTTTTGTGATAA  
TAGAGCCGCTATTAGTATTGCTAACAATCCAGTTCAACATTATAGAACTAAACATATTGAGATTGATCGGCATT  
TCATCAAAGAAAGACTTGATAGTGGAAGCATATGCATTCCGTACATTCTTCAAGCCAACAGATTGCTGATGTT  
CTTACCAAGGGGCTTCTCAGACCACACTTCGACCTTTGTGTTAGCAAGTTGGGACTCATTGATATTTACGTCCC  
AACTTNGAGGGGGAGTG

>trans\_c\_3946 X58821|A.thaliana homeobox gene Athb-1 mRNA

ACCCGCTGATAACAACAACCTCCTCACCTTTTCATTTCAAGCAATCATTCTATACGTTCTGCCGGGGACTCTGTT  
TTCCCCGTCGCCGGTGTCTGTCTCCGATCAACCAGGTTTTCGAGACTGACGAAGAGCTGGGTAATATCAGA  
GCTGGTGGTGTGATGGGGTTTTGTATTTCTCATTGGGAACACCGGCTAGGTTACTTTGGAGCACCAGTTTCTC  
CCGTCACAAGCTTATGATTTTCTAATTTTCAGCCCTAGAAGCTGAAAATACCAAACCCCATCTCTTTCCTTTCTC  
GTTTCTAATAAAGATCTACCTCGATTACGTCTCGGCTGTGGCCAATCCCCGCCCCCGTAAATCGCCGGTGATC  
CCTTCTTAACGATTTCCGTTTCAGATTTTAAAGAATAATTAATGATGTCGGACGGTTTGATTTTCAACCGGTCTC  
CAGGTCATGCCAACATGTTGTTTTTCGGAAGTAGTGATCCCATTCTCGTGGACCAAGTTTCATGATGGGGAT  
GGAGGAACTTCAAAGAGGCGCTCATTTTTCAGCTCTCCGGATGACTTGTTTGACGATGATTACTACGATGAT  
CAGCCACCTGAGAAGAAGCGCCGGCTGACTCAAGAGCAGGTGCATCTGCTGGAGATTAGCTTTGAGTCAGAA  
AACAACTGGAGCCAGAGCGCAAGACTGAGCTAGCAAAGAAGCTGGGTCTGCAGCCAAGGCAAGTGGCTGT  
GTGGTTTCAAAAACGCCGAGCTAGATGGAAGACAAAGCAGCTTGAAAGGGACTATGATCTTCTCAAATCTTCA  
TATGATTCTTTTCGGGAGCTAG

>trans\_c\_3947 XM\_002328888|Populus trichocarpa shikimate kinase (SK1), mRNA

TGATGAAAAGGGTTTTTCAGGCGTCTGAGACTGAAGTGTTAAAACAACATATCGTCTATGGGTCGACTAGTTGTG  
TGCACTGGAAGTGGTGCCGTTCAAAGCTCTACTAATCTGGCGCTTTTGAGGCATGGCATAACATTGTGGATTG  
ATTTACCCCTACAGATGATAGCAGAGGAATTTGCTGAAGATCGAAGTCAACATCCAGTATTTGATATATCTACT  
TCTGGATCATATTCGGAGGTGCTGGGTCAAATAACTTCCATCTATCAAAAAGTAAAAGACGGCTATGCCACGG  
CTGATGCATTAATATCACTCCAAAACTAGCGAGCAAGTTAGGATATGACGACTTCAATGCTGTCACAACCGA  
AGACATGGCAATGGAGGCTCAGAAGGAGATAGAAAACTGACGAGAGTGAAGAAGATGATCGAAGCAGCA  
GCAAAACCTTTTTTAACAAAAAGGAAAAACAATGCAGCTTGTCTTCCATGGTGCCACATAAAAAACAACAATTA  
AGAGTCCTAAGGGTTGAAAAACCTGATGGGTAGCTCTCTTAGGCCTCTGGAAAGTCGCCATTCTGGTCGGAGC  
AGTGTAATAACCTCTTTCTTCTCTATTGTCGATATTGATATCAGTATTTTAATTTTACGTTTAGATCTTTGATG  
AAATATGGTTTTGAATTAGGTTATGGATCTTGCTAGTATGCATATTCCTCATGTCTTTGGATTAATAGATAGTATT  
TTTATCATGTCACTGCAAGATTTTTTCATTGTATCGATGAAAATAAATGTCAGGCCAAAATTCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3948 Novel Gene

ATTATCGTTCCCTTTAAGTTTCCTTCTTACTTATTTAAGTTCAAACTATTTCTTTTATAGTTTTACTGAGATGGG  
TTTTTTGAATTTGAAGTGTGTTTCTGGGTTTTCTTCTAACGTTTGTTCTTTTAGAAAAGGAGTTATTATAGTA  
GAAGGTAGCAGTAGGCCCTTTTCAATTTCCCAATACTCGAGCTTCGGAAAGTTTTGAGGGATATTATGATTC  
AAAGATTTTTGCAACAATGGGAATTGAATGTAAGTGTTGTGATGAGATTGGAGGTAAATGCTCTACTGAGTTT  
ACTTCTTCTTGCTCTAATCTCCATTGTTCCCCTTGAAACAATATTAATATTAAATCCAATAATCCCTCAGCTCTT  
TCCTTAATTTCTAGCAAACATCATTATTTGAATACAAGAGTAGTTAATTAATTTGGTCATGACTTTGGATACT  
ATTTGGGTGTATGAACGGTGTGGGAGTGCATCCACTAATTTACAACCTCATTCAATCTCTCATCAGAAAAAAGCT  
CAATAATATTTTTTAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAGAAACGAAGAAAAGTTTGTGTTGTCATGTTA  
CCAATTATTATAGTTGGACAACACTAACTGGACTACTAAGTGAGGTGAAGCTCATGATATTTGTAAGTATTT  
CTTGGTATTATATATATCGCTATATATATCTTTGTTAACTTTAATCAATTATACAAATGATCTAAATTGGTTTAGG  
CATAATATAACTTTAACTAACCTTAACCTTCTTGACACTATAGATAGAAGTTCAAAATTTCAACTTTTGTTTTTTT  
TTAAAG

>trans\_c\_3949 XM\_002314494|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

CAACCGCCGTTCTTCAACAATGTCGGCTCGGTTGCAATGTTAATCGCCGATCGTTCATCTCGTCAAAAAACC  
CTTCACTATAAACCCCTCTCGCCTCCTCTCAGCTTTGAATTTTATGGCGCAAAGCGACTTCCTCGACGGCGGA

GCTCGGTGGAAACTAGGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGCGAGAGACTGTCTCCG  
ATGAACGAGGGCAACAAAATAGAAGAACCGGAAATCCTATTCTCCAAGATCCTTTTGAGGTTTTAGGCTCTGA  
TCTATTAATGATTATACTGAGCTACCTCGATGCACGCAGCGTGGCACTTTCTCTCCTGTCTCTCGATCTTGGTA  
CGCCGTTGCTTCAAGCGATCGTCTATGGAGTTCAAGACTCGCATTATGAGGGAGGATTTATGTGATCATGCC  
TGGCAATTTCACTTCAATAAGGAAGCTCCAGTATACTGGCGAGATCTTGATCCATATTGGCAAGGAAGCCACC  
CTCTCATGCGCCGTTATTTCCATCCCGATGGGAGCCAACTGCAGATCCTGATGATAGAGTATGGAGTGGTCA  
TGAAAGCTGCTTTTCTACTGTTACAAGTTTTGTTGGTGATGGGGAGATCAGAGAACACTATGTTAGAATAAAC  
AGATGGCCACGAATGTTTGTGTCAAGGAATGAAGATTGGAGCTGGAGGATGTCTAATCACTTCACCTCGTACT  
TGAGCATAGCCGATCCTGACAAGGCTGGCGGGACAGGTCCACTTTAACAGCAGCTGGTGATNCAATTGCTTG  
TTTGCTCTTCTTCTAGAGGCTGCTGT

>trans\_c\_3950 AF389292|Arabidopsis thaliana AT4g01150/F2N1\_18 mRNA, complete cds

AGAAAAATCTCAGTAAAGTCATCAGCTACAGCTGCTCTTTGACGGCCACTTGATTCACTATTTCCCTCTCTTTCC  
GGCGCTGATTCTAGTGTGGTTGAAGTTTCTGCAAAGAAATGGCAGCCACGGCCTCCCCTACAGCGGCCACCGC  
CGTTCTGAGACCTTCTCTGGCTGCTTCTCAACCCACTCGCCGCTCCGTTTTGCCGCTCCTTCCCCCTCGAGTCGG  
CTCCCCGTCTTCTTCTCCACCTCCCTCAAATTATCCTTAGACTCACGTAGATCGTCTCTGCTTCAAACCCGAGCC  
TCATCTTCAGAAGAATCATCTGCTGCTGATGCATCTGAGCTCTTCACAGACTTGAAAGAAAAGTGGGATGCCC  
TTGAGAACAAATCCACAGTACTTCTCTACGGAGGCGGGGCAATTGTTGCGGTTTGGCTTTCTCAATTCTTGTT  
GGTGCAATCAACTCAGTTCCTTTGCTTCCGAAGATACTGGAGTTGGTAGGGCTTGGATATACAGGGTGGTCTG  
TGTACCGATATCTACTCTTCAAGTCAAGCAGAAAGGAAGTACTGATGACATTGAAGCATTGAAGAAGAAGAT  
TGCTGGAACCGAATAAGATGCGTGTTATTTGGTCCCTATGTTGACATGCTTAGTTTCTTATTATCATTTTGT  
ACTCTATTCTCTTTCGTTTATAAGAGGTAATCTAAATCATGTAATGTGGAATAGGTTTTGCTTTAATCCATGTAA  
CTCATGTTCCCTTTCATTGTATCTTTGTAATAAGATTTGTCAAGTTCATTTATGGGAAACCCCCCTTTTCTCAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3951 AF361833|Arabidopsis thaliana At1g26110/F28B23\_21 mRNA, complete cds

CGCTTTTCTTCAATTTCTGCTACTTTGCGCTCCCACTTAACCCCATCTTCCAAAACCCTACTCTCTTTTTCTT  
CAGATTTGTTTCCCGGTGCGAGTTTATGGCTCCGAGAGTGCTTCCAGATCCAGTTCAGCCGCCGATTCATATA  
TTGGAAGCTTGATTAGCTTAACTTCCAAGAGTGAGATTAGATATGAAGGTGTTCTTTACAATATCAACACCGAA  
GAGTCCAGTATCGGACTGAGAAATGTACGGTCATTTGGAACCGAAGGGAGAAAGAAGGATGGACCACAAGT  
CCCACCAAGCCACAAAGTGTGTTGAATACATCTTGTTCCGTGGAAGTGACATCAAGGATCTACAGGCCAAATCT  
TCTCCACCTGTTCACTACATCCTTGATAAACAACGATCCAGCTACTATTAGTCTCACTATCCTCCTCCAGCAT  
CTACCTCTTCAAGCTTGCCTCCCCCTGTCAAGTGGCCTTTGCCTCATATTAATTCTCAGGCCATGCCAATGGGAA  
TGCCAGGATCTAATTTCCAGGGTGGGTTGCCTTTATATCAACCTGGAGGAAATGTAGGGTCTTGGGGAGCTTC  
TCCTACGCCACCTCCACCAAATCCAAGTGGTGGTGGGCTTGCTTTGCCAATGTACTGGCAAGGGTATTATGGC  
CCCGGTAATGGACTTCCTCACATGCATCAGCAATCGTTACTTCGTCTCCACCTGGCCTGTATTGCCTTCTTCC  
TTGCAGCAGCCACTGCAATATCCTAATCTTAATGCTTCTTTACCAACTGGTGACCAAATTTTATTGGAGTTCCA  
TCTTCTTTATTCT

>trans\_c\_3952 AY099846|Arabidopsis thaliana serine/threonine-protein kinase-like protein  
(At5g60550) mRNA, complete cds

AGGTCTGAATTGCAACGCCTTTGCTACTACCAGCTGTTTCTTTCATCGGGCTGAATGGCATCCGTTGGAATAGC  
ATACTGTACTTGGGCTTGTTGCCCTTCATCCCGTTGTAAATCAGGGTAGGGTTGTTTGGTTGCGGAATAATTTCC  
AATAACTAATTCGAAGTTTGAGATTCTCAAAGTCTCATGTACAAAAAAGTTTCTCTTTTCCAAAATGATGGG

CTGTTGTGGTTGCTTTGGGTTTACCAAAAAACCTAAAAGAGTGCTGAGACCTGCTTCTGGCTTCAACCGCCTTT  
CTGAGGATTTTTTGTGGGTGAAGACATGGAAGATGAGGAAAGCTGCTCGTCTAATGATGATATGACCAGTCC  
CACGCATGAAGAAGAGACCGAATCACAAAGCCGTGTCAAAATTCTGAAGAGATTTGCGGCATAGAACACA  
GAATGGTTTGATTGCGGCAATTCCTGTCAAGGAGACAAACAGAGTTATTCGCTCAGAGGATGAAAATGG  
AAACAAGATGGTCAATGAATATGTTCTGTTAGTATAAGATTGGTGCTGGCAGCTATGGGAAAGTGGTTCTATA  
TCGAAGCCGTATGGATGGAAAATACTATGCAATTAAGGCATTTACAAGTCTCATTTGTCAAAGCTGCGAGTT  
GCTCCTTCGGAGACAGCTATGACTGATGTTCTTCGTGAGGTTTTAATCATGAAAATGTTGGAACATCCCAACAT  
AGTCAATCTGGTTGAAGTGATAGACGATCCGGAGGATGATCGCTTTTATATGGTTCTTGAATATGTGGAAANG  
CAGTGGGCTTGTGAGGGTTATGAT

>trans\_c\_3953 EU032328|Gossypium hirsutum phosphoenolpyruvate carboxylase (PEPC2) mRNA,  
complete cds

AAAATAACAGAAAGGACTGTTTCAGCATTAAATGCAAATTATTTAAACAAATGCCCTGTAAGGTAAACATAAT  
CCACTGGCCACTCTACTATTTGGGGCACAGTGATTTTGATTATGCAGCAAAGCAGTAAAGTCAGTCACTCAAC  
ATCTCTTCTCATCAAAAGATGGATTCACTTAAACAACATCCACTTCTGATGGCATAAATTATGAGCCTTTTTCTT  
TCCTGGCAATGGCAATTTATATATGATGGGACAAACCAACAAAAACAAACAAAGGAGGCTTTGCTTATA  
TAATATAACGCTCTCTGTTTAAACAGTGTTCTGCATTCCAGCAGCAATGCCCTTCATGGTCAAGATCAGGGTG  
TCCTCTAGCCCAGGTGCGTATTCACTTTTCGGGTTTAGATGAACGAGTTCATCTGCTGGTTTGCTTGCTCCATT  
ATTTCCCTTGAAATGTGTGGTGAACCTTTCACGTCGTAGTTTGATCACGAATTCGTTTCAGTGTGTAGGCTTG  
ACACACGTTTCAGAGTCGTGATGTATGAATCACGGAGACGAAGTCTTTGCTTCAAGTAAGGATCCCCCTTCAAGA  
AGATCTCTGTGTCCAGCAATCTGCAGCAAAGGCTCTTTGTTTCTTCATAGTTGGCTCTCAAGCGCTCTCCGAA  
CGACCAAAGGTCTTCTGAGACCAAGAGCTTATCGTACAAAGCAGCAATTCCAGGGTCTCCTTTAGCGAACACC  
ATTTCAACCAATCAATGGTGACCCTAAAGAAGGGCCATTGTTGTACATCTCCTGCAACATTTGAAGGTTCTT  
GACATTTTTCTGAATAATA

>trans\_c\_3954 XM\_002890365|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

ACAAACGTTACGCCACGGTTGATTCAAACGACGGCCCTTCTCATCTCTTTATCCTATAACCTCTTCCTTTTCTC  
TCGCCGATTCAAATGCGTCCCTTCAGGTACCTTGCCGGCGTCAATTCCTCCGCCACCTCCGATACCTTCGAGCC  
TAGGTATGACTCTGACTTCGTCATAATCCTCGCCGCCCTCCTCTGCGCTTTGATTTGCGTCCTCGGTCTTGTTGC  
GGTTGCCCCGCTGCGCCTGGCTACGACACCTTGCTGGTGATGGTGCTGGCGCTGGTTCCACTCGTCTCCCCCG  
CCTCCTGCCTCCAACAAAGGTCTCAAGAAGAAGATCCTAAGGTCTCTTCCCAAGTACACTTTCACTGCTGAGTT  
TTCTGCTCAGTTCTCAGATTGCGCGATCTGCCTCGCGGAGTTGCTGTGCGGTGATGAAATCCGTGTGCTGCCGC  
AGTGTGGCCATGGATTTACGTGTCCTGCATCGATACCTGGTTCCGATCTCACTCTTCTGTCTTCTGCCGTC  
AGATTCTGGTTGTAAGTCAGTGCCAGAAGTGCGGCGTTTTCCGGCGAGCTCCAGTTTCGAACGGCGGAACGG  
AATCCAGAGTGAAAGAGGAAGGAGATGATAAGACGAATAGGTTCTTACCTTAGCTCTAGGGTTTTTCTCTTAA  
CTACTGCGATTCTTGTTCTTCTCCTCCGTGTTGTAAATAGCTCTCTTAATCAAATTCATGTAATTACTGAAAA  
TCGTGGATGTATTCAAGTTGTAAACAAAGGAGATTTCCCTGAATTCAAATCGGCCGCTCTGACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3955 NM\_001049666|Oryza sativa Japonica Group Os01g0500900 (Os01g0500900)  
mRNA, complete cds

ATTCCCTCTTCTCTAAAGAGTGATGGCACCAAATTCGGTAAATCCGAAGACGGTGCTATTTGGCTTTCCCGGT  
CGATGTTATCTCCATACAAGTTTTATCAGTATTTCTCAGTGTTCTGATGCTGATGTGGTGAGGTTTCTTAGAA  
TTCTCACATTTTTGGATATTGAGGAGATTCAGGACTTGGAAGCCAAATGACGAAACCTGGGTATGTTCTTAA

CACGGTGCAGAGGCGGCTGGCCGAAGAAGTTACTCGGTTTGTTTCATGGTGAAAATGGTTTAAGTGAGGCCCT  
TAAGGCTACTGAAGCATTGAAACCAGGAGCAGAGACAAAGTTGGATTGGAAGACTATTGAAGGGATTGCTG  
AGGATGTTCCATGCTGCTCGTTGGAGTATGATCAAGTGTGAACCTTTCGGTTGTCGATCTCTCAGTTACGACT  
GGTTTGCTTGAAAGCAAGTCGGCTGCCCCGTCGGTTACTGAAGCAAGGGGCACTTTATTTGAATAATGGTAGA  
GTGGATTCTGAGAGTAAAGAGTTGAAGCTGTAGACATTATTGATGGAAAAGTTCTACTTTTATCGGAAGGAA  
AGAAGAACAAGGTGGTTGTAAGGATATCATAACAGAGCGGATTCAGAAACAGCTATTTCCTAACCAAC  
AAGTCCTTCATTTTTACTATTATTTTTGGGTGAATTTTTGGTAAACTATTTCAAGTTCATAGTTAAGTCCCAA  
TCTTCAAATTGATGTTTATTACCTGTTCTAGAGTAGTTTTGAAACGGTTTAGACCACTTTGCCAACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3956 NM\_106607|Arabidopsis thaliana SYP52 (SYNTAXIN OF PLANTS 52); SNAP receptor  
(SYP52) mRNA, complete cds

ACCTTTTTCATTTTGATTTTTCTTTTAGGGATTGATTGATTTCCAATCCAAATTCGGAGAGCCAAATTCCGAC  
GTTTTGATTTTCGATTCCGATTGATCGACGAACGTTGGTCGCCGGCGGTGGCTGATTTGTATCTTCTTCATTTT  
TATTCAATTAATTCCCATAACAATTGGCCACAGCCGCCGTTGAATTCTCCTCGTCTTTTTCGAACGGGTCAATG  
GCGTATACTTTGGAATCATGGACGAAGGAATACAATGAAGCTTGAAACTCTCTGAAGATATCAATGGCATGA  
TTTCTGAGAGAAGTTCACCTGCTGCATCTGGACCGGAAGCTCAGCGTCATGCCTCAGCTATACGCAGGAAGAT  
CACAATATTGGGTACCAGACTTGATACCTGCAGAGTCAATTACCCAACTTCAAGGAAAGCAACCAATACCA  
GAGAAAGAGATGAACCGCCGAGGGATATGATTGGAAATTTGAGATCAAAGGCTAAGCAGATGGCTTCAGC  
TTTGAACATGTCTAACTTTGCCAACCGGGATAGCTTACTTGCCCCAGAAATAAAGCCAGCTGATGTCATGAAC  
AGAACAGAAGGCTTAGATAACCGAGGTCTAGTTGGTTTTCAACGACAAATTATGAGAGAGCAAGATGAAGGC  
CTTGAGAACTGGAAGGGACTATAATTAGCACAAAACATATTGCATTAGCTGTCAATGAAGAACTTAACCTTC  
ACACGAGACTTATTGATGATTTGGATGAACATGTGCATGTTACAGATTCCCGATTACGGCGAGTGCAGAAGAG  
GCTGGCAATATTGAAACAGCGGA

>trans\_c\_3957 FJ870998|Gossypium hirsutum ATP synthase beta subunit 1 mRNA, complete cds

TATACAGAGAAATGATTGAGAGTGGTGTCATTAAGCTTGGTGATAAACAGGCTGAAAGCAAATGTGCTCTTGT  
GTATGGTCAAATGAATGAGCCCCAGGTGCTCGTGCTCGTGTGGTCTTACTGGACTAACCGTAGCCGAACAC  
TTCCGTGATGCTGAAGGACAGGATGTGCTTCTTTCATTGACAACATTTTCCGCTTACCAGGCTAACTCAGA  
GGTGCTGCACTGCTTGGACGTATTCCATCTGCTGTTGGTTACCAACCAACCTTGGCTACTGATCTGGGAGGCC  
TTCAAGAACGTATTACCACCACTAAGAAAGGATCTATTACTTCTGTGCAAGCTATCTATGTCCCTGCTGATGAT  
TTGACTGATCCTGCCCTGCTACCACTTTGCTCACTTGGATGCCACAACCTGTGTTGTCGCGTCAGATTTCAGA  
GCTTGGTATTTATCCCGCTGTGGATCCTCTCGATTCTACATCTCGTATGCTCTCTCCTCATATTTTGGGAGAGGA  
ACACTACAATACTGCTCGTGGAGTACAGAAGGTTCTTCAGAATTACAAGAATTTGCAAGATATTATTGCCATTC  
TTGGAATGGATGAGCTCAGTGAAGATGATAAGTTAACTGTTGCACGTGCTCGTAAAATCCAACGATTCCTGAG  
CCAGCCTTTCATGTTGCTGAAGTATTTACTGGGGCACCTGGCAAATACGTGGAACCTGAAAGAAAGTATCACC  
AGTTTCCAGGGAGTTTTGGATGGAAAGTATGACGACCTCCCGAACAATCATTCTACATGTTGGAGGAATCG  
AAGAGGTCATTGCTAANGC

>trans\_c\_3958 AB573724|Lupinus albus LaMYB-CC5 mRNA for MYB-CC transcription factor, partial  
cds

AGTATTGATATTACAGAAAGCCCTACGTCTACAGATGGAAGTTCAGAAAAGGTTACATGAACAACCTCGAGATCC  
AACGAAATCTACAGTTAAGAATAGAAGAACAAGGGAAGTACCTTCAAATGATGTTTGAAAAACAATGCAAGT  
CGAGCAATAAACTGAACAAACCATCCACGTCCACATTGGAGGATTCTCCATTCTCAGATTCAGTGCTGGAAAC

TTCCAGGTGGAAAATCGCACAGTTCACACTGGTCCATCTGAAGCTGACTCGATTGCTGGAAAGGCTACTGAT  
GAAGTAGTTGAGAAGTTCATAGATCCCCAAAAGGATGCCCCAGAGAATCCGAAGTCTGATGTTTCTGAAGCTA  
GCTTCCAGCTATCCAAGCGCCAAAGGACAGAATGAGTAGGCTATGGTTTCTGCATTTTCTGTCTTTGAATTGT  
TTAAAGAGTATTGAATTTTCAAATGCCAGTGTTAGCTTGCGGGAAAGGGTAGTCCTTGGTTTTGGCTTTGAGA  
ATCACATAGGCATTAGATATATATGATCTCACATTCTAGTTTATAAGCAAGCAAAGACACTAGCCAAGTTTTGG  
TAACATCATTCTCTGTACATTGAAATTGTACACTCAGTTGCAACTTTAGCTTTAGTTGCTTTCTGTCCGCAACT  
GTTAAGGTTGTTTCAGTAAGAATTTTCTATCACCATTTGTGTAATTTTATAAAGTCTCTTCTTCGAGAAGATATCT  
TTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3959 NM\_100452|Arabidopsis thaliana selenoprotein family protein (AT1G05720) mRNA,  
complete cds

AGAAGTTAAAAATTCGTCTTTGTAGAGAGAGTTTTCCAATCGTTCGTAGACTTCGCTTTTACCCTCAGTCGC  
CGGCGACAACAGAGATGCAGCTTCTCCCGGAGTATGGAATCCCGCTACGGCGGTGACGGTAACGTTAGCTG  
CGGCGGCGATCATTTTCATCTCGTCAATGCCGTTGGCTTGGTCAAAGGAGCAACTCAGCTCGAGGGAATGTGA  
GGATCTAGGTTTACCGGCCTTGCTCTCTGTTCCGATTGTCACACTTTAGCTGAATATATCAAAGATCAAGAAT  
TAGTGGCGGACTGTTTGAAGTGTTGTGCAGAGGATTCTGATGACGCCACGAGTAAGATAACTTATTCTGGTGC  
CGTGCTGGAGGTCTGCATGAGGAAGCTAGTCTTCTATCCTGAAATTGTTGGCTTCATCGAAGAGGATAAGGAT  
CAATTCCTTCAGTTAAGGTTCAATATACCTTCAACTCTCCACCGAAGCTGATTTTGCTGGATGATGAGGGCCA  
GCATAAAGAAAGCATCAGGATTGATAATTGAAACGAGAACATTTTTTGCAGTTCCTGCAAGAGAAGGTTAA  
GCGATCTTCCGCAATTTAAGGTTCTTTCACCTTTTTTTTTTAAATATAAATTTTAAATTACAACCTTTAATCAATG  
TAAAAAACTTCTTAGAATTTGAATGAACTATTATCGGCCATAAAAAGAAAAAGAAAGAAAAAAATTGA  
GGTGAGTGAACACTGGATTTTGTGAATTTCAAGGTTAGTAGTGGAATATAAATGATTTCCCTGTGAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3960 AY126988|Arabidopsis thaliana At1g10890/T19D16\_19 mRNA sequence

AAGAAGACTTTGGTTCTTTACCTTTGCTTTCCTATTCCCTATTCCCTATTCCCATTCCAATCGGACCGACGACG  
AAGAACGGAAACTGGGACAGGGAGGAGCGATTCAATTCGGATCACCTCTTCTTCTTCTTATAATCCCCATC  
CTCGGAGATACCTTCCACCAGATTCTCCTCAATTTGGATTCCAACCTCATCAACTGCGATTTGCGGTAATACATA  
CATAGTGAAGATTTGCTTCTTGATACAAGATGCCTCGGGATTTATCACGATCTCGATCACCTTTGTATAGGC  
GGAGGCTTTCGCCATCTCCCTTAGGGCATAGGTATTCCAGGAGGAGTCGGAGAGACCGGAGCCGTTACCGT  
ATTCTTACAGCAGAAGAAAAAGTCGCTCAATTTCTCCAAGACGTAATAGAAGTCGTTACGAACACCAAGACA  
CCATAGAAGTCGTTCTCCAACTTCAAGGAGTTATAAGAAGCAGAGACGACGAAGTTCCTCATCATCTCTGCAT  
CGTAGATCTTCTAGTTCTAGCCTCGGATCCATTGAGCAAAAAGTACCAGTGAAAAATTGAAAAAGGAGGAA  
GAAAGAAAAAGGCGACAACAGGAGTCACAGGCCAAATTGCTTAAAGAAGAAACGAATAAGAGAGTTGAAGA  
AGCAATTCGCAAGGAAGTTGAAGAGAGACTGAACTCTGATAATCTAGAAGTGGATATAACAAGAAGTTGGA  
GGAGGGACGGACACGGCTTAACGAAGAAGTGACCGCTCAACTTGAGAAGGAAAAAGAAGCTGCCCTTGTTG  
AGGCCAGACGGAAAGAGGAACAAGCT

>trans\_c\_3961 AY105543|Zea mays PCO101093 mRNA sequence

ATTGCACAGCTCGAGCTATGGAACGAGAGGGCATCAGGAAAGTATGAGAAGAAGGTGTACGTGTTGCCAAA  
GCACCTCGACGAGAAGGTGGCTGCACTTCACCTGGGCAAAGTGGGGGATGATTTGACACTAGCAGCAGAACT  
TGCAAGTGAGATGTGGAGTGAGAACTTAATGTTGAATTCCTGGTCAATAAAAGAGTGATGAAACATATCGA  
TCGTGCAAAAGAGTCGAGAATCCCTTGGATAGTGTTTTAGGGGAACGTGAAGTGAGTGAAGGGATTGTGAA

GTTGAAAAACGTGGAAACCTTTGAAGAAGTAACAATTTCCAGAAGCGACATCATTGAAGAACTCAAGAAACG  
CCTCACCCCCTGATCGATAACACTGCTATTGCAAAATGCAGAGCTGGTCTTCTTCAATCTAAAATTGGAAACTA  
TTTTTGCAGACAAATTTTTTTTATACCGATTAATACTCAAGTGTTAATATTTAAGAATTTTAGTGTGGCTCACTTT  
TCATTTGGGCTGTGTTTGACAACCCTAACCCATTTTTGTTTTATACTTGTTGACATCAGTGGCTGAATTCCTTTCT  
TTTCTTGGTTGTTTATTCCTGTATCACCATTGATTAGAATGGAATTCTATACACAATATTACGACAAGATGCTTT  
TATTATTGATCGGATTTCTCATTACACAATTTGCTTCGATTTCTAGGTTTCATTGTTCAAGAAGAATTGGAAGAAT  
TTCCACAAGGGATTAGTGGTTATTGAGATAATTTATTGAAGTTCACAACCTTTATAGGTTGCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3962 NM\_129053|Arabidopsis thaliana ATO1 (Arabidopsis thioredoxin O1) (ATO1) mRNA,  
complete cds

ATCCTCAATTTCCGCGAACCGGCAGAATGGGAAGAAATTTAGTCCCTCAGTGGCGTCTACTACGTCGAGTTCT  
CCACGACGGCCGACTCCGAACCTCATTTTTATCGCAACTATTCTACCTTCAGTCGCTCTGGAACAAATCTTGAA  
GCTCGTCATCACCGTCGTCTTCGTTGTCCAAGTTCCTCTTCAGCTCCTCCAGTTCCTCCCTTCGCCACGCGCCGG  
ACTTTCATTTCCCAAGTGTGCCTTTCCATCACTGTGCTCTCTATGCTCAGCGTCAGATCCTTCGAACATTATCTT  
GATAAAGTCTGAAAATCTATTAAGGAGTCACTAAGCAAAGCACGAGAGGAAGCTTTGCCGGCAATTTTCTAC  
TTCACAGCTGCCTGGTGTGGCCCTTGCAAGATTATTAGTCCCGTGATCAAAGAATTGAGTAAGAACTATCCTGA  
GGTGACAACATATAAAATTGACATTGATCAGGAAGGCCTCGAAAGGACTTTGAATGACTTAAATATTACCTCT  
GTGCCAACACTTTATTTCTTTCAGGATGGCAAAGAGGCTGGGCAAATTGTCGGTGCCGATGTTGCAGGCATAA  
AAAATATGATGGAGAAGATTTACAAAAAATGACCTAACGTGTTTTGCTTTATCCCATTTTCAAAGCAGGTTTAC  
GACTTGATGACATGTAGATTCTGAAATTTACTGTTGGTATTTCAATTTTACATTGTTACGAATTTGATAACCTTC  
AGAATGTGATGACTAATAAGAAGTTGTGAACAGGTCTGTTCTTTCATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3963 NM\_001066951|Oryza sativa Japonica Group Os07g0639600 (Os07g0639600)  
mRNA, complete cds

AATAAATTCTCTGATAATCTGATCGTCTTTTACTAGGTAAAGAATAGATAAGACTGGTGGTTGAGTTTTTGCCT  
TCTTCTCCAATCGTTACAGATTGTTGGGGACAATTCTCTCCGTAGCAGTACTGTTATTAAGAACAGATCTTTGTT  
AAATGGGGTTCGGAAGGGCCTCCATCGTTACGATTATGTAACAGGGTTTCGGGAAGTTCCATGGAGTTTCTG  
ATAATCCAACCTGAGACGATAGTGAACAATCTCAAGAAGTATATGGAGAAGAATGGTTTGCCAGAAGGTCTAA  
CTCTTGGGAGTTGCAGCATTCTTGAGACTGCGGGGCAGGGAGCTCTCGACTTGCTACATAAGACGTTGCAATC  
TGCTGTAGAGGGGAAGGGTTCTGAACCTACCAATTCTAGAAGAATCATCTGGGTTAGTTATTCCTGCCCTAG  
CTCAAACCTTTCTCTATACAACACTTATTTTCATGTTTTGCTCATCTCTGAAGTTGCCTTCCATTTTATCTAGCTTCT  
CTCATTTTATGTTCCACTACAACCTATTATCTGCTTGTCATTAGTTCTTTTCGTGTTAGTTTCTGCAACTGGATAA  
TCAAATCTACAACAGAAATTACTCGGAGGGTACACTACTTCCTTTTGTATGGTTTGACTTTCCTTTATTTTCTTA  
CAAAGCTTTTCGATCTTCAGCTGAAAAACCTCCCAAGTGTATTGTTGTCTAGAGCATCAAAACAAATTAGTCTAT  
ATCATTATAATTTTCAGTGTCTCTACAATCATAAGTGCATGGAGAAGAAAACGAACAGCCACTTAACCATTGAGT  
GATGTCGCCTAAT

>trans\_c\_3964 AF464906|Glycine max repressor protein (Dr1) mRNA, complete cds

ACCACACCACCACCTCCTTCGCCTCCTACCATTCCGATCGTCTCCAATCCCTGGGATCGCCGTCGTCATTTTCCG  
GTTTTGTCTATTCCGTTATTTAATTCCTTTCTCGGACGCCTCTTGAAGTTTCGGTATGGAGCCGATGGACATAGT  
TGGAAGTCTAAAGAGGACGCCTCGCTTCCAAAGGCGACTATGACCAAGATTATCAAAGAGATGTTGCCCCCT  
GATGTACGGGTTGCAAGAGACGCTCAAGATCTTCTGATTGAGTGTGTGTGGAGTTTATAAACCTTGTATCAT



CAGAGTCTAATGAAGTTTGTAGCAAAGAAGAAAAAGAACAATTGCACCTGAACACGTGCTCAAGGCTCTTG  
AGGTGCTTGGTTTTAGTGAATACATTGAGGAAGTTTATGCTGCATATGAACAACACAGGATCGAACTATGCA  
AGACTCATTGAAAGGAGGAAAAGTGGAGTAATGGAGCTGAGATGACCGAAGAAGAAGCTTTGGCTGAGCAAC  
AAAGAATGTTTGCCGAGGCACGTGCAAGAATGAACGGCAGTAATACTGCACCGAAGCAACCGGAGCCTGAG  
CAAAGTTTAGAGAGCTAATTTAGGATCTTTATTTCTTCAACCATAGGCAAGATTCCTTGACCCCTTCCATTT  
GTGCCTCAAATATGCCTTGTGCATATGTACAAAAAGAAATGATTAACTAGCTACTGGGCTCTGTGAAGATG  
CATTGTAATATATATCCATATTTGCGGATCCATGTTTAGTTATTAATACAAGTAGTGACTGTTTAAATCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3965 AB500144|Nicotiana tabacum NtTPP mRNA for trehalose 6-phosphate phosphatase,  
complete cds

ACCTCCCTTCCTTTCTTCTGCATCAAGATTTTCTTTCTTTTCGCTTCATTTCTTTCTTCTGTCTTCTTCCC  
CATTTGGGTTCTTGTTTTCTGCATTTGCCACATTTCTCAGGTAGAACTTCTCCACGGTTTCTTTTCAGATTGT  
TAGGAAGATGACAAGATGTTTTGTGCTTGATGGATCGTGTCCAAGTGGTAGTGATAAGAAAACATTGAAAA  
AGTGGTTTTTTATTGATAAAAGAGTTGGTTAGAGGACATAAGTGCGCTTTATTTTGTGAGTAGCAAGTAAAA  
TTATAAACCTATACATTTGAATCAACCTCTAAATCGGATCATATGGATCTTAAATCGAATCACAACTCTCCATA  
CTCACCGACCCTGCGCCTATCAGCAAGTCTAGGCTCGGTGTGCATTTGAATATGTTGCCCTATGCATCTGCTCC  
AGGAGTTGGTTTCTCGCCAAATATGCTTCTAATACCCAGGAAAAAACTGGTGTGCTTGATGATGTTGAGCA  
AGCAGCTGGCTAGATGCTATGAAATCTTCATCTCCTCCTCCTAATAGGATTTCCAAGGACGATGTGAATGAGCT  
CTCATCATTGGATCCGGATTTTCTGTATCGCAATTGGATGATTAACCTATCCATCAGCACTTGCCTCATTTGACCA  
GATCGTACCGCATGCAAAAGGAAAGAGAATAGCACTATTTTGGATTATGATGGCACTCTCTACCAATTGTA  
GATAACCCTGATGGCGCTTTCATGTCTGATGCTATGCGTGCTACTGTAAAAGAGGCTGCAAAATATTTTCCAAC  
GGCTATAATTA

>trans\_c\_3966 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

ATATAGGATTCAGCTGTTGTGCACAAGTTCCATTGAGATCGGTGCTTGCTGAGAAACAAGCATTATGTTTTTCT  
GTTATTTCTCTACTGTGATACAAGTTGATTTCCGCACCTGAACTCAACCTAGTGTGGAGAGCACTTCAGCCCCA  
GCAAGGATGGAGGCAGGTAGTTGATGCATTATGCAACGTGGTATCAGCATCCCCAGCTAAAGCAGCAACAGC  
AATTGTTCTTCAGGCCGAGCGGGAGTTGCAACCATGGATTGCAAAAGATCATGATCAAGGTCAGAAGATGTG  
GAGAATCAACCAGCGGATCATCAAATTGATAGTTGAGCTAATGAGAAATCATGAACTCCAGAATCACTAGTC  
ATATTGGCGAGTGCGTCAGATCTTCTGTTGCGTGCAACAGATGGGATGCTTGATAGTGGAGAAGCATGTACTT  
TGCCACAACCTAGAGCTATTAGAAGTGACTGCTAGAGCAGTTAAGCCTGTACTGGAGTGGGGAGAATCTGGAC  
TTTCATTGCTGACGGCCTTTCCAACCTCTTAAAGTGTCGTCTACCAGCTACAGTTCGATGCCTTTCTCATCAA  
GTGCACATGTTGAGCTCTTAGCACATCAGTTCTTCGTGATATTCTGCACACCAGTTCGATAAAGTCTAGTTCA  
AAATCGGTTAACATAAATGGCATCTATCCCTCTTATCAGTATTTAGTTTCANGTATCATTGATTGGAAAGCAGA  
TATTGAGAAGTGCTTGGGATGGGAAGTTCGTAGCCAACTTGCAAGTGGACAATCAACTCAGTTTCTTCAAGCT  
GCTGCCAAGGAAATAAGCTGCTC

>trans\_c\_3967 XM\_002867291|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle receptor  
alpha subunit family protein, mRNA

TTAGCTTCATGATAGTTGCTTGTGATACATTTAGATCTGGAGCCGTGGAACAGCTTAGAACTCATGCTCGTAGA  
CTTCAGATCCCTATATTTGAGAAGGGTTATGAGAAAGATCCTGCAGTTGTAGCTAAAGAAGCAATCCAAGAGG  
CATCCCGCAACGGATCAGATGTAGTTCTTGTTGATACAGCTGGGAGAATGCAGGATAATGAACCACTCATGAG  
AGCTCTCTCAAAGCTTATCAACCTTAACAGTCCGGATCTTGTCTTGTTGTTGGGAGGCCCTCGTTGGGAATG

ATGCTGTCGATCAACTTTTGAAGTTCAATCAGAACTAGCTGACCTATCAACTTCACCCGAACCCAGACTGATT  
GATGGTATCTTGCTCACTAAGTTCGACACCATCGACGACAAGGTTGGAGCAGCATTGTCTATGGTCTACATATC  
TGGAGCACCGGTGATGTTTGTGCGCTGTGGACAGTCATATACCGACCTCAAGAAGCTCAATGTCAAATCAATC  
GTCAAAACGCTTATCAAATGAGAGGCCCGTGACAGTACAAACACTCCCTTAGATGTATTGATGATAAGATTTA  
TGAGTTTGTGTTGTGTTAATTGTCCCTATGACCACCCAATGCCATATATAAACACACATTATTAAGTCCA  
TGCACTCAGTGGTGAATGTTATCCTCTTTAGTTTGTGGACTGTGGATTGTGGATTGTGGATTGTTTTCCCCC  
TCTCTCCCATGGCTTCCTCTCTTTGTATATGAAGTTGGCTACTTTTTATTTTTCCATTTTCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3968 NM\_001049227|Oryza sativa Japonica Group Os01g0268500 (Os01g0268500)  
mRNA, complete cds

TTCATGAGAGCTGGTTTCAGAAACAGTCCCAAATGGGGGATGCTATTTTGGGAAGGAGACCAAATGGTAAGT  
TGGCAAGCCAATGATGGGATAAAGAGTGCTGTTACTGGCCTTTTGGAGCAGTGGACTTTCGGGCTATGCTTTTA  
ATCACAGTGATATAGGAGGGTACTGCGCAGTAAATTTACCGTTCATCAAATACCGAAGAAGTGAGGAGCTGC  
TTCTACGATGGATGGAGTTAAATGCCTTTACCACTGTTTTCAGAACCCATGAAGGAAACAAACCATCCTGCAAC  
AGCCAATTCTACTCAAACAATCGAACATTGTCGCAGTTTGCTCGCTTTGCTAAGGTCTATAGTGCTTGGAAAGTT  
TTATAGAATCCAATTGTGAAGGAAGCCGCTCAAAGAGGCCTACCTGTATGCCGCCACCTATTTGTTCACTACC  
CAGAAGATGAGTACGTGCTTACATTAGGTCACCAGCAGTTTTTGTGTTCTGAGATCCTAGTTGTGCCAGTC  
CTTGACAAAGGCAAGAACTATGTCAAAGCCTACTTTCCTTAGATGACAGTTCTTCATGGCAACATATATGGAC  
AGGGGAGGTATATGCTAAACTCGGTTGCGAAATTAAGGTAGACGCTCCAGTTGGCTATCCAGCTGTGTTTATC  
AAGGTTGGCTCCATTGTAGGGGAAACCTTCATTAGAAACCTGAAAATGTTCAACATTCTTTAAGAAAGCGGCC  
CTTAAACTGGGGGTAGCTCACTATTCATTGAATTTAATCTAGGTTACATTTTTCCCCTAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3969 NM\_102605|Arabidopsis thaliana NSL1 (necrotic spotted lesions 1) (NSL1) mRNA,  
complete cds

AAGATATAAACCTCCAATTGAGGAGCTCCAGCAATTTCTGAATTTCAATTGCCTAGACAGTGGGCGCCAGTG  
TACGCTGATCTTCTCTTGCTCCTCGGCACAGGAAACAAGCCTCTCCATCTCTCAAGTTTACTTTGATGGGGCCC  
AAGCTTTATGTAAATACTACTAAGGTTGATTCAAACAATCGTCCAGTAACGGGAGTTCGCTTGTTTCTGGAAG  
GAAAGAAAAGTGACCATCTGGCAATTCATCTCCAGCATCTATCAACTCTTCCCAAGACCCTTCAACTCTCAGAT  
GATCTAAGCTATCGACCCATTGACGAGCCAGAGGAGAAGGGCTACTTCGAACCAGTTAAATGGAGCATATTCT  
CTCATGTCTGCACTGCGCCAGTAGAGTACCATGATTCTCTAATTGATGATGACTCTGCTTCTATCGTCACAAAG  
GCATGGTTTGAAGTTAAGGTTATTGGAATGAGAAAGGTCTTGTTCTGAGGCTCGAGTTTTCGATGGTGGCAT  
CAGCAGGGATCCGTAGATCGGACTGGGAAGGACCTTCAACAACCTCCCGGAAATCTGGACTCATCTCTACCTT  
TATCAGCACAAGGTTTAGTGCTGGGTTGCATCAACCAGAAGAGCAACCAAAAATTGAAGTGAATTCGGCTGTT  
TATCCTGATGGTCCACCATTGACTTCTAGGGCAATGAAAATGTTGAATGTCATTGATACAAAAGAAATGGTGC  
GCGGTCCTGAGAATTCACCTGGTTATTGGGTGGTTACCGGAGCAAAGCTGTGCGTGGAACGTGGCCGGATCT  
CTATCAAAGTGAAATACTCATT

>trans\_c\_3970 NM\_001056540|Oryza sativa Japonica Group Os03g0329700 (Os03g0329700)  
mRNA, partial cds

GACATGTTTCTACTCAAGTCAAGGGCACAATGGGTTATTTGGATCCTGAATATTACATGAGTCAACAGTTGAC  
GGAGAAAAGTGACGTGTACAGCTTCGGAGTAGTTATGTTGGAATTGCTAACTGCCAAGCTGCCAATTGAAAA  
AGGAAAGTACATAGTTCGTGAGGTGCGTATGTCGATGAACAAGAATGATGAAGAATATTATGGTTTGAAGCA

TATACTGGATCCAACCATATTTGATAATACGGCAAATCTTATTGGGTTCGGAAAGTTCTTAGAGTTGGCCATGC  
AATGTGTTGAAGAAGTAGCTGCAAATCGTCCCACAATGAGTGAAGTGGTTAAGGCAATTGAGAAGATTTTGC  
AGAATGATGGAATAAATAACAAGTTCAACATCAGCATCCTCATCTGCCACAGACTTTGTGACTTCCAAAACCTCT  
TCTAGACATCCTTATAACGATGCTTCTCAGAAAGAGAGCGTCAACAAGAATAGCCAATGAATGGATGATGAAC  
CAATGTAGAACTATCACTGTTTTGTTTCACGGAGTTGTAACTTGGGAGAAGTTATCACTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCC  
CCCCCCCCAAAAAATTTTTAAATCCCCCCCACCCGGGGGGGGGGCCCGCCCCCTTCCCCCTATAGGGGG  
TTAATTTCCCCCGCCCCCGGGCCCCTTTTT

>trans\_c\_3971 AY883445|Zea mays cultivar CIMMYT-URGII teosinte glume architecture 1 (tga1)  
gene, promoter region

TTGGTCGCCGTCTCCGATCAGCACAATTTTTCACGCCAGATTTTGATAAAGAAAGAAAGATGATCAGAAGAAA  
AATATCGAAATCGATTTGGAATTTGTCGGTCTGAGCAGGTAAACGTTTGGATTTGGGTGACTCATGGGTTAGA  
TTCTTTGGAGGTCCCTTTGATGTCCTTGAGATTGACTTTGAGTATGTTTCAGTTATTTCAAGACTTCTGAAATTT  
TGCACTTGCTATGTTGGAAATTTTCATCTTATTGAAGTGCTGAGTGCTTACTTTTTCTTCTTTTCATAGCTTTAT  
GGCCATTGTTATGTTACAGCGATTAGGAAATTTGCATTGGGATTGAACGTTTCATCTCGATTGTGGTGTTCGAC  
TTCCCTTTTCTCTATTCTTTTGTGGTGTAGGGTGAATTTTGGCTTTTGTAGTCAAAGGCTATGAGATTGAGTAC  
ATGGCTTTAAGAGAAAGGGATCTCACATTTGATCTCGAAATGGGGGGAAGATCGTTGAAGAGGATGGAAG  
TGGGGAACCGAGTTCAACCAAAAGAGATGTAAAGAATATTTGGAGTAGGTTGACAGAGGATTCACTGCTAAA  
AGATGAGCGAGCCATAGCCTCAAACAGTAATTTTGCTAATACTGTTGCCGACATCATTGCTGATGAGAGCTTA  
GGATTGTTGATAGATAAGAACTTGGAAGGAGAAGATGATCATGAAGTTTTTGCACATGGAGAAAAGTAAT  
GCTAGAGGGAAGCATAAGAATAAGAAAAAGGCTCTGAAACCACCACGGCCTCCCAAAGGTCCTTCACTTGAT  
GCCGCTGACAGAATGATGGTGA

>trans\_c\_3972 Novel Gene

ACAACCAAAACAAGTGTGATCAAACAAGGAAAGAAGCTATAAACTCATAAAAAGAATGTCTCTAATCACAGA  
AGAGATCAAAGCCAAAGCTGATGAGCTCTACTATGGAGATGAGATGTGCCAAATCAAATCAAGGGAGCTGCT  
CAAAGAAATGGATCTTCCAAATGGGCTGTTGCCAATGAAAGACATGGAGGAATGTGGGATTGTGAAAGAGA  
CGGGGTTTGTGGCTGAAGCAGAAGAAGAGCTATACTCATAAGTTTAAAGACATTGATAGGTTGGTTACTTA  
TGGCACAGAAGTTACAGCCTATGTGGAGAAAAACAAGGTTAAGAAGCTTACTGGAGTTAAGACTAAGGAGCT  
CATGATTTGGCTCCCACTCTGTGATATCTATGTTAATCAACCACCAAACGGGAAAATCACGTTCAAGTCTACGA  
CTGGACTGCCGAGAACTTCCCTGTGTCAGCCTTTCAGGTTGAAGAAGACGTCAAGGTTGTGGGAGAGAAGG  
AGAACAAGAGAAGGAGAACAAAGAGAAGAAAGTAGTGAATGGAGCCGAGCTGCTGCAGCTATAGAGGT  
GAAGGAGGTCTGAGTTTAGTTCTTTAAATTTCAAGGGGCTCTCTCTTCTTCTTACTACTGGTTTGTGTTTGGC  
TCAATATGTTGCTATATGTTCTTTTTTTCTTTTTTTATGTTGAAAGTTTGTGTTTATTGAATAAAAATTGGGTAT  
GAAGTTTACGTACTGTAATCGTGCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCGCCCGGCCCTC  
AAAACTTATCAATAACCGTCAACCCCCA

>trans\_c\_3973 AF452450|Glycine max adenosine 5'-phosphosulfate reductase mRNA, complete cds

AAAATTATCAATTCGGTCTCGAAGGCAAAGAGAAACACAAATTTTTATTTTGGAGAAAAGAGTGTTGGAAGAA  
GAAGCTTTTAGAGCGATTTGATTCAACAATGGCGCTTGCTTCTTCTTCTTCTGCTTCTGCGATTACCGGTT  
CCAGTTTCTCTGTTCCATTTCCGCCTCCGAGCCTAAAGCCCCGCAAATTGGTTCTGTTAGGTTGTTGAGTCGG  
CCTAATGTACCAGCTTCGTCTGTGAATTATTCGAGAGACGATGCTCTATAGAGCCTCTACATGCTGAACCAAA

ACGGAACGACTCCGTTGCTCCGTTGGCAGCAGCCTCCGCTCCCCCTGAGGTGGTTGAGGAAGTGGAGGTTGA  
AGACTACGAGGGTTTAGCCAAAGGCCTCGAAAATGCTTCGCCCCCTGAAATTATGGACAAAGCCCTAGAGAA  
ATTTGGCAATGATATTGCTATTGCTTTCAGTGGTGCTGAAGATGTTGCTTTGATCGAGTATGCCATTTAACTG  
GTCGACCGTTTAGAGTTTTAGCTTGGATACTGGAAGATTGAATCCAGAAACATATAAGTTCTTTGATGAAGT  
GGAAAAACATTATGGTATCCATATTGAGTACATGTTCCCTGATGCTGTTGAAGTTCAAGCATTAGTTCGAAGCA  
AAGGGCTGTTTTCTTTTACGAGGATGGACACCAGGAATGCTGCCGTGTGCGCAAGGTGAGGCCTCTGAGAA  
GGGCCTTGAAGGGACTAAGAGCATGGATCACTGGTCAAAGGAAAGATCAATCCCCTGGTACCAGGTCTGAGG  
TTCCTGTTGTGCAGGTGGACCT

>trans\_c\_3974 XM\_002882174|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata regulator of chromosome  
condensation family protein, mRNA

ATTTGTTTCCTTTCTTGCATCTTTCTTCCATTTCAAAAACCTTCTTCGCTGATTCTTTCTCGGGTACTCCCTT  
TTCTTTCAATTTCCCATCGTCTTTTCACTATCTGAATCCATCAACCTTACGGGGCAAGAAATGGACATTGACGA  
TATTTTTGGGATGACCCAGAACGTAAGCTTGCCAAGAAAGAGTGCGATTTATGTTTGGGGTTATAACCAATCG  
GGTCAAACGGGTGCAAAGGGGAAGGATCATCAATTAAGGGTTCAGGCAACTCCATCCTGATCTTTTGGAT  
GCCCAGGCGAAATTAATTCTCGCTGGTTGGATATTGCTTGTGGTCGTGAACATACGGCAGCTGTGGCTTCTGA  
TGGGTCACTTTTTACTTGGGGTGCAAACGATTTTGCCAACCTGGGTGATGGAACAGAGGAAAAGAGCAAAC  
TCCAAGAAAAGTGAATCAATTGCAGGGCGAGTTTGTGAAGTCTGTTTCTGTGGAGCACGTTGTACTGCTGCT  
ATTGCTGCACCTCGTGAGAATGATGGCACCTTTCACTAGTCGACTCTGGATTTGGGGACAAAATCAGGTTTT  
AATATATTTATTTAAATGTTGATGTTCTTTTTCAAACCTTCTTTCATTTTCAGCTGCTCCTCTTATCACAGGGA  
TCCAATTCTCCACGCTATTTTGGGGAGCCTTCACACCACAAACGATTATTCGTCAAGTGTCTGTGGGGCAGT  
TCATGTGGTGGCATTGTCTGATGACGGCCAATTGCAAGCTTGGGCTATACATGGGGACTAGGTAGTATGGGT  
CAACTTGGTCATTG

>trans\_c\_3975 AY049250|Arabidopsis thaliana AT3g09470/F11F8\_4 mRNA, complete cds

CAAAATCGGTAGTTGCTCCATTGGCTGACAGAACAATGATTTTGACCATTCTCTGATTGCATATTCAGGACTA  
CAAGCACCATTTGTATGGGCCAAGTTCAGAAACAAGTTGTACACCATCACTTGGTGTGTCAGGGGTCGGTG  
GTGCAATGGCAGTTTATGGGGCTGCTGATGCAGTTTGCTCATTGGTTGCTGGTCGTCTTACATCTGGTCTTCCA  
TCAATCACTTTCTTAGTATCTGGTGGGGCTGTAATTCAAGCTGTTGTTTTATTTGGCTTCTACTGGGGCAGAG  
CGAAACACTTGGCACCGTATACCTGCTTCTTATATCGGCCGTTCTGGGAATTGGTGATGGAGTTTTTAACACCC  
AGCTGAATGCTCTGCTTGAATACTTTTCAAACACGACACGGAAGGAGCGTTTGCCCACTAAAGGTCTGGCA  
GAGCGCGACTATCTCGATCGTCTTTTTCAGTCCATACATTTCAATGCAAACAATGCTGGTGATTATACTCTC  
TATTCCTTGCCTCTCGTATGTTGCTTTTCTGACTTTGACCGTTTGGGTAGAGAAATCATTCTCAAGATTATAATG  
TGTAGACACGGATATATGTGTGCTTCTATATTGATTGCTGTCAAAGAAATCTGTCCTTTCGCCAATTGA  
TTTCTTCTAAACTGTTCAATTCCTTTGCCAACCAATCTTGTGTAAAATGCATCTCTTCCATACAAATTGGGAAAT  
TGAATGCAACTTTTAGCTTTTGTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3976 NM\_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)  
mRNA, complete cds

AATTTAACTCCATCTCCAACTCCATATCAAATCCCAAAACACAACCCACATAGTTTTCAACAATGTCTACAAA  
TGCTCTTAACGATCACCATGTCCCAGCCCAAGGTAATTACATGAGTGAACAAGAAGCAAATACTTTGATAAAA  
AAGTATGACAAGAATGGTGATTCAATCCTGACCAAAGATGAGCTAACTGCTTTGATCATGGAGCAAGCTGCTT  
CTCACCATCACCAACAAGTTAAGCCTCAAAGGTTGAACCTAAGAAGGTTCTGATGAGAAGGCCTCTGGTGG

GCCATACAAGATGAGGCTTAGTAGAGATGAAATGAGGGAGATTTTCTTAGAGCACGATATTGATGGTGATGG  
TCATCTCACTAGAAGTGAGCTAATAAAAGCTTTTAACATGTGTGGTTCCTTGAATTCATTTAGTAAAGCTAACT  
ATGCTTTGAATTTGGCTGATGCTGATGGAGATAACTATATCAGTATGGATGAACTTGAAAAAGTTCTTGATTAT  
GCTGACAGAGTAATCAACAGGCCCAAGAAATGAAGAGGTTGTTAAATTTATGTACTCTATGCTATCATCATATT  
ATATATCTAGTACTCATTAAGAAAACTAGAACAAAGAGTTTGTCTTGCACTACTCATGATCAACTCTTACTAT  
ATATATATTGCTACTCTGGTGTATTGTTCTGTGTATTTGTCATGTTATCGTTTTCTAATATAAATATTTCCCTATTT  
ATAAATATTTACATGAGGAATTAATAAAGATGTTCTGCTCTTTTTGACAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3977 Novel Gene

CTCAGTAATCAGTTGGGAAGTGAGAGATCGTTCACAGAGACTTCAACAAGCTTCTCTTTTCCTCCAAGATGGT  
GTCTTTTAGGTTTCACCAATATCAGGTTGTGGGAAGGGCTCTTCCATCTGAATCAGATGAACACCCTAAGATTT  
ACAGAATGAAGCTCTGGGCTACAAATGAGGTCCGAGCTAAGTCCAAGTTCTGGTACTTTTTGAGAAAGTTGAA  
GAAGGTTAAGAAGAGCAATGGACAAGTTCTTGCTATTAATGAGATCTTTGAGAAGAATCTACCAAAGTCAA  
GAACTATGGCATCTGGCTGCGCTACCAAAGCCGAACTGGGTATCATAACATGTACAAGGAATATCGTGACACC  
ACTCTCAATGGTGTGTGGAACAAATGTACACCGAGATGGCTTCTAGGCACAGGGTAAGATCTCCATGCATTC  
AAATCATCAAGACTGCTACCGTTCCTGCTAAGCTGTGCAAGAGGGAAAGCACCAAACAGTTCCATGATTCCAA  
GATCAAATTCCTCTGGTGTTCAGAAGGTTAGACCCCCAACAGGAAGCTTAGGACCACATACAAGGCCTCA  
AAACCAAATCTATTCATGTAACCTCTTCTCTCTATCCCCCTCAGCAAAGAAAATGGATTAGAGTTTTGGTTAA  
AAGTTGAAATTTTTGGTAGATTTTAATCTGTCACTTCCTTTTGTACCAATGAATGTTCTAATTTTAAATTGAGG  
ACTTCAAATTTTGTGTTGGGTTTTCTTTTCTGCTCATTCTGGAATTGTTTGACTTTACATGAAGTATTCTTT  
AATTGGGCTTATTTCAA

>trans\_c\_3978 EU823320|Arachis hypogaea acyl carrier protein 3-2 (ACP3-2) mRNA, complete cds

AGGAATTGAGTAGTCACTGCAAGAAGAGAATAGTTTCGAGAAAAATGGCGCTGAGGGCAGCCGTTCTTCGCCA  
TCTTCGTGTTCTGTCCAATTCTCTGCCCTAGCTCGCCGGGAATGCCAGCCGGCGCCGTGTTCCGATGGTTATC  
TCCGGCTGTTTTATCCCACGACGATCGCTCTACAAAGGAGGAGGTCACTGAGAGAGTTCTCTCGGTTATCAA  
GCGTCACACGAAAGTCGACCCCTCAAGGTGAGCCCTAATGTTCAATTCAGAAAGATTTGGGTTTAGACAGC  
TTGGACACTGTGGAGATTGTAATGGCCTTGGAAGAGGAGTTCAAGCTAGAGATACCAGACAATGAGGCTGAT  
AAAATAGATTCTGTGATCTTGCAATTGAGTACGTATACAACCATCCAATGGCTAATTGACAAAGTACTAACAT  
CTTTCTCTTTATTTATTCTTTCCGTGTTTTTGGAGTATGTTATTCACTGAAAGAATTTTCATCTCAACATTGTTTT  
CTGACCGTGCTTGGGTGTTTGTGAGAGTCGCAATCCTTTACACTGTGGTGGAAAATAATTGTAAGTGCTTGA  
AAGATAACACATTCTGCCTCAACAAATTTGAGGGCCTAGAACGGTCATAACTTCAATCTATTGCTATTATCATGT  
GGTATAAAGGATTTTGCATCTTAACATCTATGGGATCTTTTCATCCTGCATATATGATTTTCCTGTGACCGAGA  
GGAGCTTAGAATCTCAGCTCTGAATCTCAAGGATATTCAAATTGATTGCTTTGAAAGTATTTTCTCCTACACAC  
CCCCCTGTATATATTA

>trans\_c\_3979 NM\_001072712|Oryza sativa Japonica Group Os12g0153200 (Os12g0153200)  
mRNA, complete cds

TTTCTCATGTGCTCTTTATTCTTCTCTCTCTCTCTCTATAAATTCACCAAATTCAGTCTACACATTCACTACTCA  
ACATTTATTCAATTTCAATTTCTGCAATTCTCCATGGGGAATATCTGTTTTAGAACCAACAAAGTTATGGCTCAAG  
ACGACTCTTATGACAATCTTCTCTGATCAGTTCATTGAAGCTGAGAAAGTCGAGGAACAACCGCTTCGTCCT  
GGATCGGCGATGGCGAAGCCGAAGAACGGAACCGGGGGTGCGGCCGGTAAGAAGGTAGTGAGGTTTAATT  
TACAAGAAGAAGAAGAAGATCAAGAGGACAGAAATTCGGGCGACGACTCTGGAGCGGGAGTGTTGAGGATT

AAAGTGGTGATATCTCAGAAAGAGTTAAAAGAGATATTGAAGAATAGAGAGAACAATTCGTGTTCATTGGAG  
GAATTGATTGAGGAGTTGAAGGTGAAAGGGAGAGCGACGACGGTTTCAGATGAAATAGGAAGCTGGAAGCC  
GGCTTTGGAATGTATTCCTGAAGGTGAAGGTGATCTACATAAATGAATTGAAAGTTCTCTTGAGATCTGATGA  
TCTCTTTAGTTTTCGTTAACAAATCTGTGAAATATTAGTGTAATTATTGTATAGGTGTGTTATTTAATTAATATCA  
CCAAAACTGTTAGGGAATATCTGTGTGGATGTGATTCTTAGAAGGTAGAGAGTTGTGTGTTTCTTGAACAACA  
ATATGCTATATAGGGTGATAATTTATACTAAGTAATTTTTGTAATAATCGTAGTTACATTTTGGAGATGCGATG  
GGGATAACAGCTTGATATACT

>trans\_c\_3980 AF516351|Hevea brasiliensis eukaryotic translation initiation factor 5A isoform II  
(eIF-5A) mRNA, complete cds

TGTCTACAACGTCTTCAGAAAGCTGGGAAACATTGAGAACAGTGTGTAAAAAGAACAACAGGGAAACGCCGG  
TGCAGCGATGTCGGACGAGGAGCACCCTTCGACTCCAAGGCCGACGCCGGAGCTTCCAAGACTTTTCCTCAG  
CAGGCTGGAACCATTCGCAAAAATGGCTACATCGTAATCAAGAACAGACCCTGCAAGGTAGTTGAAGTTTCTA  
CTTCAAAAACCTGGAAAACATGGACATGCAAGTGCCACTTTGTGGCGATTGACATATTCAATGGGAAGAACT  
TGAAGATATTGTTCTTCTTCTCACAACCTGTGATGTTCCCATGTTAATCGCACCGATTATCAGCTGATCGACAT  
ATCTGAGGATGGTTTTGTCACTCTCTTACTGAAAATGGAAACACCAAGGATGACCTGAGGCTTCCCACCGAT  
GATAACCTGCTTACGCAGCTTAAAGATGGGTTGCGCGAAGGCAAAGATCTCGTGCTAACTGTCATGTCTGCAA  
TGGGAGAAGAGCAGATCTGTGCTCTCAAGGACATTGGTCTAAAAGTTAAACACAGAGCTTCGGCTACACCT  
GATGATGGCACAGCATCATCAGAAGTCTATCAAGTATGCTTATATGTAATAAAAAACACAAAATCAGCTGTGA  
AATTAAGAGCTTAAAAATCCAGGAAGCTTCTTACAATGGGAAAATATTATAGGAAATGTTGAACCTGCTGAGA  
TCCTTGCAACTCTGATGAAAGGATTACATACATATTTCACTCTTCTTTATATGGTACAATACTTAAAAAATCTG  
GTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3981 Novel Gene

AATAATCCCCCTTCGGCTCTTCCGCTCTCAGCTCTACGATCTTTGGAAAAGCCAGGTCTTAACAATTTCTCTCCA  
GCTAACTTAGTTTTCTTTGCAGACTTTGTGTAATCGCAACCCCACTCTCAACTTCAGTTCTTAGCAGGCTAGC  
AGGAAGAAATGGGAGAAACAAGAGACAACGAATATGAGGAAGAGCTCCTCGACTACGAGGAAGAAGAAGA  
GAAGGCCCCCGATTCCGTTGGAGCTAAAGTCAACGGTGAAGCTGGAAAGAAGGGTTATGTGCGAATTCATAG  
TTCGGGATTACAGAGACTTTCTATTGAAGCCAGAGCTTCTCCGTGCGATTGTAGACTCTGGATTGAGCATCCAT  
CTGAAGTACAACATGAATGTATTTCCCAAGCTATCCTCGGCATGGATGTTATTTGTCAAGCTAAATCTGGTATG  
GGTAAAACCTGCTGTCTTTGTTCTGTCAACGCTGCAGCAGATTGACCCTGTGGCTGGTCAAGTATCTGCCCTAGT  
TCTGTGCCATACCAGGGAGCTTGATACCAGATCTGTCATGAGCTCGAAAGGTTGAGCACTTATCTCCGGATC  
TGAAGGTTGCTGTCTTCTATGGTGGAGTGAATATTAATAATCACAAAGATCTTCTGAAAAATGAATGTCCTCAT  
ATTGTTGTTGGAACACCCGGAAGGATATTGGCACTGTCGAGAGATAAAGACCTATCCCTGAAGAATGTCCGA  
AATTTTATCTTGACGAGTGTGACAAGATGCTTGAGTCACTTGATATGCGGAGGGATGACAAGAGATCTTCAA  
GATGACTCCTCCCGACAAAC

>trans\_c\_3982 XM\_002864431|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ndr family protein, mRNA

AATACGAGAGAAGAGAGTAAAAGCATAAGAGAGAACCTCCTCCGTGTGCGACGGCGACCGGCTGTTTTGGT  
GGTAGCGCTATTCAACGGACATAGAACTACGGCCATGGCAGATTCTAATGACTCTGTTCCGTGATATGGAG  
AAGATCTATCTCGGTGGCAAGGAGCATCATGTACAACTGGCCGGGGTTCTGTGTCTGTAATAGTCTGTGGAG  
ACCAAGATAAGCCGCCACTTATTACTTATCCTGATTTGGCTCTAAATCATATGTCATGTTTTCAAGGATTATTCT  
TTTTCCAGAAGCAGCTTCGTTGCTACTTCATAACTTTGCATCTACCATATCAGCCCTCCTGGACATGAGTTAG  
GAGCTGGTGAGATTTGTGAGGATGATCCTTACCCTCTGCCGATGATTTAGCAGATCAAATCCTTGAGGTTCTC

AACTTTTTTGGACTCGGTGCAGTTATGTGCATGGGGGTGACAGCTGGCGCTTACATTCTTAGTCTTTTTGCTTT  
GAAGTATAGAGAGCGAGTTCTTGGTTTAATTCTTATATCCCCCTTATGCAAGTCGCCCTCTTGGTCCGAGTGGT  
TCTATAATAAGGTAATGTCGAACTTGTTGTACTTCTATGGCATGTGCGGTTTGTGAAAGAGTGCTTGCTTCAG  
CGGTATTTTCAGCAAGGAGGTCCGTGGTAGTGCCGAAGTTGCAGAGTCTGATATAGTTCAAGCATGTAGAAAA  
TTACTAGATGAGAGACAGAGCAAACATGTTTTGAGGTTCCCCTCCAGCATTAAAGAAGACCAGACATTACCG  
AAGGGTTAAAAAGGCTCCG

>trans\_c\_3983 XM\_002887492|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata galactosyl transferase  
GMA12/MNN10 family protein, mRNA

ACCCAGCAAGTTCCTTATCTAAATGAGCTATATNGTATACAATCTCGATCCCATGAAGCCTGCAATAGTCAATT  
TTATTCTTGATTGCCTTCAACAAATAATGATCCCCAATTGGGTTGTCACAGGGTTTTGGTGGAGAACCAGTAAC  
AAGCAAGATCCTAGCTCTTTTATTAACATAATTGCGAAATTCTGGGTTTTGATCGAGCCAAACCTTTCGTTCTCG  
ATTCCAGTTAACAATCTTGGGTCCGAGCGTGAAGTGACATTAGGGTTGATTTGGGTCTCGACAGGATCATCC  
GGGTCGTTGGGGTCGCTGTCAGATTGAATCTCGGCGAGGATCCGTTGGTTTCTTCGATGATATTCTGGTTCA  
CAGCGTCAGCCTCGGAGCTACCAAGATTGCCAATACCGATTGTGCCACGAAGAACAAGGATGGTGACGAATC  
CACACAATATTGTGATCTTGATATTGTTGAAAGTCTTCTGGATCTGACGGCCACGGGGAATCCAGGGAACCC  
ACGACTTCTCCTGGCGTTGGCGGTAGCAGCAGTGGTTGGTAAACTATCCCTCCACCGCCAGCTCTCTTCTGAG  
CAGAGATGTTGTCAAGTCCCATATTTCTTCTCCCTTCTCTTTCTACAAGTTTCTTCTGAGCAGAGATAATGCA  
GGATTTGGAGCTAATGGGTCATGAGGGAAATGGGGTTTCCCTCTATCCAACAGCTCTCTCCGCCACCCCCACC  
AATTAATTATGTTAGCAAGATCGGGAATCGAAGAGATGAAGGGGGAAATGGAAAGAAACAGAAAAACAAAC  
AATCATGGAGCAAGAAGAAT

>trans\_c\_3984 Novel Gene

AAGATCCAAATACTCTTCTTCTCTGCTTTTTTTCTTGTGCTCTTCTCCTCTTCATTTCTTCTTTTTGCCCCC  
CCCTTTGTTTCAGATTTTCTCCTCTTCGGTCCTTTTTTTGTTTCAATTTTGTGTTGCCGTCCGCTTTTTGGTCTCAA  
ATGGAGATGGATTTCTTGGGTTTGAGCTCTAAGGAGCCATTGGCTGTGGTGAAACAGGAGATTGACAACGAT  
GGAGCGCAAGATTCTGGGTATACTAAAAGCTCTGGTGTTCCATGGTCCTCTAACAAGGCCTCTGCTCTTCCTCA  
TCTGATACCTTTCAAGATTTCTGCAGACGACAAGACTTCAAAGCTCGGTTCTGATCCAGTCGGGGCTACTTCAG  
ATCAACGAAGAGCAGCAGAAATCCAGAAAACGTTCAATCACGATAGGCAAGGTGGTCCTCATTTTTCCCTGGC  
AGCTTATCCTATGCAACCTGATTTGTATTGATTGATCATGTCCTCATGAAGCAAACTATTTTCAGTTCAAATCA  
AGGTATATCTGTTTCTTTAGGCAATCCATCCTTGAAGAACCCTTTTGTCTTCTGCTCAGATGGCTGGTCCTAT  
CCTCAAACAACCACTTGGAGGAGTACCTGTTTCGACTGCTTCAAACCTCATTTTTCCACCATTTGGTTCTGTTGT  
CGGGATTACTGAACCATGGAACAGCATGAAACCTACTGGAGGTTCTCAAACCAATTGACTATTTTTTACGGT  
GGTACCGTCAACGTCTACAATGACATTACCCCTGAAAAGGCTCAGGCTATAATGTTCTTAGCTGGGGCTGGGG  
CTGCCATC

>trans\_c\_3985 NM\_116938|Arabidopsis thaliana SAH7 (SAH7) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGTATTTTGTATTCATAAATAAAGATCACAGTATCATCCTGATGATGACAA  
TAATAAAGTGAATGAACAAAACATATTAATCATCTTGACTTTAAGAATGCAATATAACATACTCCGTTTCAGTG  
TCCAGCCAGATATGGGGCACACCATTAGCTTACTTAAGCAGAACAGGCCAAACAAATACAATAAGTGATTCA  
ACCACTTCTCTAATCTTCAATGTCCTGGTACTGACTCATCACTTGGTTGCACCCAGACATAGGTTTCGTCTATCGC  
AAAACCCATGGCATTACATAACGGTCGTTTGAGGCAATACCAATTGTAACGGGTCAGGATCACACGGGGCACG  
GTCACGGCCTTCTGCTACTGACGAACATTTCTCCTGAGGGCTGCTGACTAGTACGGCATCACAAAGTTCGTAC  
CATGGTCCTCACTGACTAAGAGCGTGTAAGAACCGGTGGAGTCTGTTGTGGCCTCATGAGTGTATCGAACTTC

CATGGAGTTCCTGTCCTTGCAATTCTGACCTTAGCACCGGGAATGTAGGTAGTAGCGGAGGTTTCAAAG  
CCGGCAAGGCAAGTATCACAGAAAACCTTACCACGAACAACAAACGGAGTTCTGACGGGGCGGCTAGCGACG  
GCGAGAGCAGGAAGCATAATGAGAGCAAAGAGAATGACAAGTCGAGCCATGGATTTTCGATTTTTTGTCTTA  
GATTCGAAGATTGGAATGGAAGAAGAGGTGATGAAGGAGAAGTGAGGAGGAAGGATTTTTGATAATATA  
AAGAGTAAAGTGAAAGGGATT

>trans\_c\_3986 AY108352|Zea mays PCO148182 mRNA sequence

AAATGGTTGCTTGTTGGGGTTGCTACACACTATTCTCATAGTTCACGGGTTCCATTAATTGAAGAGCATCTAGG  
GAATTTGGTTACAGATGGTGCATCTATTGTTGAATCTTCATTAGATAAATATGGTGATCTTGTTTCATCCAGATA  
AAACAAGTGTACTTCACAGAGTCGAAATACTTGACAAATGTTTCAGCCATGACACTGTTGAAGAAATCATTGA  
TTCGTTGGAAATCGAGTCATCTAAATCAAAGATCCATGGTGCATTTCCACTCTAAAACGATTGAAAGAAGCA  
TCACCTTTGAGCCTGAAGGTGTCTTTGAAATCTATACGAGAAGGAAGATACCAAACACTTGATCAGTGCTTGA  
TTCGTGAATATAGAATGTCCCTACAAGGGATATCCAAGCAGATCTCGAGTGATTTTTGTGAGGGTGTTCCGGGC  
TCGATTGGTGGACAAAGATTTATACCAAAGTGAATCCTCCTACCTTAGCGCAAGTATCTGAAGATATGGTG  
AACCAATATTTCTCTCCACTAAGTGAAGCTGAGCCTGATCTTGATCTACCCACCCATTGCGAGAAGCATTCCCT  
TGATTTTCCACAACCTTCTCTTGAGCTTTCAATTTACCATTATGCTCTTCGTCTACCTTCAGGAATGTTT  
CATCCAATTCAAAGGATAATACTCGCAAGATTCTCTCAGCTTGGTAATTTGTCATTTGCTACATGACATAGTTA  
AATAAATAAAATGGCCTCCATTTAGAAATGTGTATTTTCATTAAGTTAGTCTTACTGATGTTTGCATTTTTTGT  
GACATGTGTGAGT

>trans\_c\_3987 NM\_001186098|Oryza sativa Japonica Group Os02g0564200 (Os02g0564200)  
mRNA, complete cds

GGAGTGGACAATTTGGATCTCTATACTCGAAGAAGGAAAAGGAAATCAGAGCAAGCAATCTTCAATGGCGAA  
TAAGCCTTTGGGATCGACGGGAGAGTTCTTCAGGAGGAGAGATGAATGGAGGAAGCATCCCATGCTTACCAA  
TCAGTCCCGTCATGCCACCCCTGGCCTCGGCATCGCCCTCGTTGCTTTCGGCATCTACCTTGTCGGCGAGCAAG  
TTTACAACAGGATCAATTCTCCCTCGTCTTCTCACCACCACCATTCCGATGCATCCTCCGCCACCCATTAACCTCT  
ACCGATGCATTCTGTTAGGTGAATCCAAGCTTGGAGTTCTACAGCACTCGTTCTCTTTTACCTCTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTAATGTGCAATAAAAGTAAACTTTTGCTGGACAAAACACTTGGAGCTTGGAATGTTCTTGATGAG  
GTTGGGATTGAAATTTCCATCACAACTGAAATGTTTAATTTATAATCTAGTGGTTCTGGCAATTCATGTTGCTC  
ATGGTCGGTGATGAGGTTTTCTTTTATTCCATTAAATATGTGATTTTTAACATATGTTTCCTGAGTTAATATCTA  
CCAAAATGGTGAAACGTAGTTGAAATAGTTGCCAGGAAGCTTATTAGTAGTAGTACGTAGTTGAACTTAGTT  
GGAAGGTCTAGTGTTTTCACTTTCTTAACCCCATTTGGTCCAGCAGGACGAAAATATTAGTTCGTGTATTGAT  
GTATCCGTAAATGGAAGTTTTGATATCGATAATAAAATTATAAAATAAATGCTTCCGAAAAAAACAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3988 NM\_001161155|Arabidopsis thaliana NTMC2T5.2 (NTMC2T5.2) mRNA, complete  
cds

ATCATCAACAATAACAACAACAATCCACACCAATTTCCATTGATTTTCTTCCCCATTTCCCCATTCTCAATCCAG  
CTTCAGCTTCAGGTTTCATCGTTTCCTTATGATTTCTCATCTCTTTTCTTTCTGTATCTAAATGATTACACACTTCC  
CATTTCCGACCTTTGATTTCTCCAATTCCTTCTCTAACATTGCCCATGCAACAATTTCACTGCTTTTCGTCCCTTTT  
CCAGAAAAATCCAGAAAACCTTTTCATCTTCTCTTAATTTCCGACGGAGATGGTTCTTGTTTGTCTCTTTCTCC  
AGATGGTGTTACTAGCAACTTTAATTTAGAATTTGCTACTTCTGCTAGAAAGGGGTGTTAGAAAATTTGTAGTTA  
AGCGTATTAGTAATGAACTGGAAGGGGAAGAATTCTCCAGGAAGAGTCTTCTGTGCAAGTGGGGTCGAATT  
TACTGGTTTTCAAGAGGATCCTATTGTTGATAAGTTAAGGACTCAATTAGGAGTCATACACCCTATTCCTTCAC



>trans\_c\_3989 AY056419|Arabidopsis thaliana At1g30270/F12P21\_6 mRNA, complete cds

>trans\_c\_3990 XM\_002866610|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat family protein, mRNA

>trans\_c\_3991 NM\_001049054|Oryza sativa Japonica Group Os01g0235100 (Os01g0235100)  
mRNA, complete cds

[illegible]

AGTAGAAAGGACTCGTCGAGCAAGAAAAAGTCAGCTAAGGGGTAACTTAGACAGGGAGGAAATGAAGGAT  
GGGATGTCAGAGTTGTTTATATGGAAAAAAGATACCAAAGGTGAAAGGGGTGACTTTTGAAGAACATGTCA  
AAATTTTCTCATAGGGAATTTGATTGAAATTTGGTTAGATTCTCATTTCTTTAGGCTTCTGTAATGATATCAAC  
AAGCTTGTATTGGGAGGTTATATTTAATATTTAAAGGGAAAATTTCAAGTTTAATGCTTGGTTGAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_3992 NM\_106257|Arabidopsis thaliana CDSP32 (CHLOROPLASTIC DROUGHT-INDUCED  
STRESS PROTEIN OF 32 KD) (CDSP32) mRNA, complete cds

AATCCCCGCCCTTCCCTCATCCCCAACCTCATTAACCTCCCTGCCGCCGCCGCTTCATCTCCTCCTCCGCCTCA  
TCACCGCCCTCGCCGCGCCCGCCGCGCCCTCAAATCCACGCCACCGCATCTCCAAGCGTGAAGAAACAGAG  
CAGCGATGAACGAGTTTTGAAAGTACACAGTAAGGAGGAATTCGACGAAGCTCTGAAAAAGGCAAAAAGTA  
AATTAGTTGTAGTGGAATACGCCGCTTCCGATAGCGAGCAGAGCAGCCAAATGTATCCATTTATGGTGAGTCT  
TAGCCGTAGTTGTAGCGATGTGGAGTTCATTTTAGTAATGGGAGATGAGTCGGACAAAACGAAGGAGCTTTT  
TGATAGAGAGAAGATCGAAAAGTTCCTCACTTCAGTTTCTATAAAAATATGGAGAAAATTCACGAAGAAGA  
AGGAATCGGACCGGATCGATTGGAAGGCGATGTGTTGTATTACGGCGATAACCACTCGGCGGTGGTTCAATT  
ACACAGTGGAGAAGATGTGGAGAAGCTGATCGGAGAACATAAAGAAGATCACAACTGATCGTGTGGACG  
TGGGATTGAAACACTGTGGACCGTGCCTGAAGGTGTATCCGACGGTGATAAAGCTGTGCAAGAAAATGGAG  
ACGGTGGTTTTCGCTAGAATGAACGGAGATGAGAATGCAAGCTGTATGAAATTTCTGAAGGATATGAATGTG  
GTGGAAGTCCGACGTTTTTTGTTTCATAGGAGACGGTGAGATTAAAGGAAGGGACGTTGGGTCTGGGAGAG  
GAGAATTGATCGGGGAAATTCTTAAATACCAAG

>trans\_c\_3993 DQ864657|Capsicum annuum nuclear-localized RNA binding protein (RBP1) mRNA,  
complete cds

GGCTAGGGTTTTTCCCTTTTGTTCCTCTTCCATTTTTATATTTTTTCTTTTAATTTTATTTCTACAAATCTCTTCAT  
TCTTCTTTTATCATATTTTCATGGAGCTCTTGTTAGATAGGTTTTGTTGATCTCCTTTTTGTTAGCTCTTTTTT  
GGGTTTTTGGTTTCGAGATTGTTTCAAATCGCGACCCTTAATCCTTTTGATTTGTTGGGGGATGATGATGCTG  
AGGACCCATCTCAGCTAATTGCGGCTAAGGTGGCGGCGGTGGCGACGGCCCCGCTGTCTAAGAAAGGCCCTG  
CTCAGACCAAACCCCTGCCTTCTGGGGCTCAACAGAATAAGCCTGCTAGTCTTCTTCAAACCTCTGCCACCT  
GCTCAGGCTGTAAGAGAATCAAGGAATGAAGGCAGTCGTGGAGGTCGTGGCAGTGGACGAGGTGGAGGAC  
GAGGATATGGTTATGGGCGAGGTCGCGAGGGTGGTGGGTTTAATCGAGACTCTGCCAACAGTGAGAACATT  
AATGCACCTGAAGATGGAGTGGGTGGTAAGACAACCTGAAAGACGTGGATATGGTGGGCCTCGTGGTCGTGG  
TGGCCGTGCGGGTGGTTTCAATGATGGAGAAAATGCTGAAGGGGAACGCCCTCGTAGAGCATTTGAACGCCA  
CAGTGGAACTGGCCGTGGAAATGAATTTAAACGAGAAGGGTCTGGTCGTGGAAATTGGGGAAGGTCAACTG  
ACGAATTTGCTGAAGTAGCAGAGGAAACCGTTAATGAACTGAAAAGAATGTGGGTGACGAGAAGCCTATTC  
AAGAGAATGATACATCAGGGGCGAA

>trans\_c\_3994 NM\_001084628|Arabidopsis thaliana LPP3 (LIPID PHOSPHATE PHOSPHATASE 3);  
phosphatidate phosphatase (LPP3) mRNA, complete cds

ATTAGTGAAGTGGTTCATCTCTGTTCTGTTTATAATGGCTTGGTTGAAGAATTTTCTGTCTTTCTTTACTTTCC  
GCAGTTCCTCAAGGAGATTTGCGGAATTAGATCCTTCTGCACATACAATAAAATCCCATGGAGCCAAAGTTGC  
TAAGAATCATTTACGCACTGGTTGATTCTTCTACTTCTCGTTGTGATTGAAGTGGTTTTAGTGTCATTCATCC  
ATTTTATCGCTATGTGGGAAAAGATATGATGACGGATCTTAAGTTTCCCTTTAAAGATAATACAGTTCCTGTTT  
GGTCTGTCCCTTTGTATGCTGTTATATTGCCAATTTTGATATTCTTGATCGTCTACATACGGCGGAGGGACGTTT  
ATGATTTGCACCATGCCATTTTAGGTCTTTTATTTTCTGTGTTGATCACTGCTATCATCACTGATGCTATTAAAAA

>trans\_c\_3995 AY305733|Gossypium hirsutum actin (ACT14) mRNA, complete cds

>trans\_c\_3996\_BT014745|Arabidopsis thaliana At2g40660.1 mRNA sequence

>trans\_c\_3997 AB279612|Nicotiana tabacum NtMYBGR1 mRNA for MYB-related transcription factor, complete cds

AGATAATTCTATTCTCGCCTTTTCTTTTCTTTCTCTCTCCAAGCCTAAGAAATTAATAGAGGAAACTTTTCTAAAT  
AATGGGAAGGCAACCATGTTGTGATAAAATTGGGTGAAGAAAGGGCCATGGACTGCTGAAGAAGACAAGA  
AGCTCATCAATTCATACTACCAATGGCCAATGCTGTTGGAGGGCTGTCCCTAACTGGCAGGATTGTTGAG  
ATGTGGGAAGAGCTGTAGTTGAGATGGACAAATTACTTAAGGCCAGATTTAAAGAGAGGCCTTTTGTCTGA  
ATATGAAGAGAAAATGGTCATTGATCTTCATTCTCACTAGGCAACAGATGGTCAAAAATTGCTTCACATCTTC  
CAGGAAGAACAGATAATGAGATAAAAAACCACTGGAACACTCACATAAAGAAGAACTAAAAAAAATGGGA  
ATAGACCCTCAAACCTACAAGTCTATTTCTCAGTCTTCTGATAACACCCATTTGTCTGACAAGGACAAAAACA

ATCATCACAACTCCATCACCACCAAAAAGAGCATAAGAAAGAGGCAGCAGGGTCCGAAACCGAGATAATAGA  
AACGAACATATCAGACTTGATTATGGATGGGTTTTGCACAGAAGAAGTTCCTCTAGTTGAGCCACATGAAATT  
CTAGTCCCTTGCGCTTCTTCATCTTCAACAACCTCAACTTCTTATTCTTCTTCATCTTCTTATTCTTCTTATT  
TCATCAAATTCAGAATCAGCAGCCAATTTGCCTCAAGATTTGATGAATGAGTTTCCTGAGTTTGAGTGGGCAA  
ATATTTGTGAAGAAAATGGC

>trans\_c\_3998 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f  
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

AATAACAGCATGCATTGCACGGTGAATGTGAAGAAGTAGACCATTATCTCGGCAATAATGAGCCATTATCCAT  
TGCAAGGAATTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTG  
CTTTCTGGGTCGTCTCAACCCTTGCGATGGGGCTTTTCGGGGGTTTTATAGTCGCTCCCCTACATCCAAAGGA  
TTTACTTGTTACTAATAGAGTCTAGCCTATGTTCTTCTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCG  
AGTCAATGCAGAGGAAATGAATGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTGAAATAGATAAAACATAATCTGTATTAT  
GGCATATATATCACCTATTCTAATGGATCTTACGGAGCCTGGTCATGCACGACATGGTCAAGTCTGATCATGG  
AAAAGATTCTCTTCAAGCGAACCAGCCTACCCTCTGTATGGAGCTTTTCGCGGTGGTTGGAATAAAGACACATT  
TTGTTGTGAATCCCAATGTGGCAGATAAAAAGACATATATCTACACGGTCCAACAAAGCTGGTTTTTTTGTAC  
TCCCATAATCCATTTTCTCTCGAAGAATTCCTTCAACTATTATTGCCCCGCCATCCGCCCCAAAGAAAGAGG  
AGAAGAATATTCTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACCAACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAAACGTATC  
CAAGCTCCGTGGCTAGTCTGCGCTCTTTGGACTTTTCAAACCTTAGCGAACTGAAACATCTTAGTAGCTAAAGGA  
AGGGAAATCAACCGA

>trans\_c\_3999 HQ394171|Solanum lycopersicum cultivar Pearson prephenate aminotransferase  
(PAT) mRNA, complete cds

TGCTGTCTGATGAAATATATGAACACATAATTTACGCTCCAGCAACTCACACAAGCTTTGCATCTTTGCCAGGC  
ATGTGGGAAAGAAGCTAACTGTTAATGGGTTCTCTAAGGCCTTTGCAATGACTGGTTGGCGACTTGGATATC  
TTGCTGGTCCCAAACACTTTGTTTCTGCTTGTGGAAAAATTCAGAGTCAGTCCACTTCAGGAGCAAGTAGCATA  
TCCCAAAAAGCAGCTGTTGCAGCTCTAGGAATGGGCTATGCTGGTGGGGAAGCAGTTGCAACGATGGTGAAA  
GCTTTCCGAGAACGTCGTGATTATTTGGTAAAAAGCTTTGGCGAACTTGCAAGGTGTCAAGATTTCAGAACCTC  
AGGGAGCTTTCTACCTCTTCTTGATTTAGCTCTTACTACGGAGCTGAAGTTGAAGGATTTGGTGTAAATCAAC  
AATTCAGAGTCACTTTGCAGATATCTTCTGAGAAAGGCCAGGTTGCTTTGGTTCCAGGGGATGCATTCGGTG  
ACGATAGTTGCATTCGGATTTACATACGCGGAATCCCTCAGCGTATTGCAAGCTGCTGTGGAGAGAATTAAGGA  
AGCACTGAAGCAGCTAGGCCCCGTTGTTCCAGTTTAACAACTGCTAATGTATGGAATTTGTAATAAAAGCTAG  
GCCTGTTGCTCTTCAATGGTTTCGATTTAGATTATTGATTTAAGCTGCTGAAATTTGTATTCTAGTGTGTTGTTT  
AAATAAGTAATAATAAAAGAACATTAATCTTTTGTGCTCCATTTTTTGTATATAGTCTACGTTAATTAATG  
TAATAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4000 BT025638|Arabidopsis thaliana At3g45050 mRNA, complete cds

AAATAATCATCAAATAAAAAATATCTCTGAAAAGATAAGCAGGGACCCAAGAATTTGGGAACGCCAAGCAACT  
ACACACTGGAGTTCGTTTCTCAATGGAGCTAACTCTGCCTACCCCCTTGTTTGTCTCCATCCCCAAGATCGTTAG  
GAGTTCTAAACCCAACAACCATGGCCTTTGCTTGTGAACTCTATTCTCTTTCAGCTGATATGAACTACAAG  
GAGGAAGAAGAACATTGACTATAGTTCCTCTCTACCTGAAACCGCTGCTTCTGTGGCAATTGCTGCTACAGTT  
GTAGGCGCAGCAGCCACCTTCTTTCCAGAAGAAACAAAGATTCTGAGGCAGTGGAGGTTCTTTGATAACAT  
GTGAAGATTGTGGTGGTTTCAGGCTTATGTTCCGAATGCAAAGGTGAAGGTTTTGTGCTTAAGAAATTGTCAG  
ATGAAAATGCAGAGCGGGCGAGGTTGGCTGCGAAGAATATGGCCACTCGATTCACCGCAGCGCTTCCTAAAA

AATGGAGTTACTGTTCCAAGTGCTCTTCTGCTCGATCTTGTAGTACTTGTGGTGGCAGTGGGACCTTGAGCTCT  
TAGAAATTTTCGATAAAGTGATGAATTCTTTACAAATGTACATGAGAGTTTAGATCACAAACGCTGGTTTTATTG  
TTAAAGGAAATTTGACTTGTTCTTTATGAGTTTGCTGAATCAGTTTATGGTTAAACATATTGTAAATAACAAC  
ATTGACAAATAGGTGAATCTAATGCACAAGTCATACAATGTTAAAAACAACATAAAAGGCATAAGTCTAATTA  
ATGAACAATTACAATAAT

>trans\_c\_4001 AY258007|Nicotiana tabacum TGB12K interacting protein 2 (TIP2) mRNA, complete  
cds

AAACAAGAAATTACGGTTCTCAAAGAAATGAATTAACATAGAACCAAATTATATAAGTCTCGTTAGGGAATCA  
GGTTAGACAGAGAGCTTGATCTCTTGCTCTCCTTCTCCCTTGAATCTTCTCGCGCCAGGATCAGATATTCTCAT  
GGCCTCGAATAGTGGCAAAGAACTTCTGTCTGGTTCTTCAGACAACAAAAACGCTAAATCTGAAACATCCTCTT  
CAGACAATCCTCCTCCACAGGCAGCATCCCAAAGAACTAATTCTCCACCTCAGCCAGCACCCCAAAGAACTAAT  
TCTATATTTGATGACCTGCCTCACGACAATCCTTTTGATTTCTCATCCATGTCTGACATTCTTAATGATCCTAGCA  
TCAAAGCATTAGCGGAACAGATAGCAAAAGATCCTTCGTTCAACCAGATGGCTGAGCAGCTTCAACAATTTCA  
GAGTCCACCAGCTCAAGAAGGAATCCAAGTTGATCCTCAACAATACTTTCCACCATGCAACAAGTCATGCAG  
AATCCTCATTTTATGTCTATGGCAGAGCGTCTTGGTAGCACATTAATGCAGGATCCATCTATGTCTCGCATGTTT  
GAGAGTTTGTAGTCCACCAGATGGTGATCAACTTGAGGAGAGAATGGCACAGATTAAAGAGGATCCTTCA  
TTGAAGCCTATATTGGAAGAGATAGAGACTGGCGGTCTACCTTCTATGATGAAGTACTGGAATGATAAAGAA  
GTTTTACAGAAGTTGGGGAAAGCAATGGGCCTTCCAATTCCAGCTGAGGCAGCTACGTCTACTGACAATGCTG  
CGTTGATGATTCTGA

>trans\_c\_4002 NM\_116401|Arabidopsis thaliana CRK (CROOKED); actin binding (CRK) mRNA,  
complete cds

AAACAAAACCATCGCACCTCAAAGACCATTGCGCGGCGAGAAAACCTGTCATCTCTTCTTTTCACAAATCACA  
ATTCACATTTAGCTCCGATTTCAATCATACAAGTGTGGGTTATCGATCTGTATTGGTATGATCAGTTTTTAGTT  
AAGCTCGAGAAAATCCTACTGGAAGTAGGGTGATAACGCAAGGCGAAAATGGCGACTACATGTGAATTTGTG  
GAAGCAGATAATGCAGAAGCCATAATCACCAGAATTGAGCACAAATCTCGAAAGATCGAAAGCTTACTCAA  
CAGTCTAAACCAGTCGAAGCTCTTAAACTGCTCTTGAAGGTTCCCTCCAAATACCCGAGATGAGCGTTGTAA  
GTCAGCAAATTGGATTGTGGTGCATAGGGCTCTCATGGCTATAAAGGATGTAGATGGGATGTTTTCTTCGTTG  
GATCCAGAGTACTACGATATTCTAATGAAGTACTTGTATAGAGGGTTGTCAACTGGTGATCGTCCCACATGTG  
ATCAATGTCTCAGGATACATGAAAAGTTGACAGAAAGGGCTGGCTTAGGCTGCATTCTTCGTTCTCTTGCCGA  
TACTATTAATACTGTTTGATTTTCTTTGAGCAACTTTTGTTGATGTTGGATATATGTCATACTAAGAGCTGA  
AAATGTACTCAGTTCATCGAGTTTGGACAGGTGTAAATTGCTTCCAGATTGTGGATTTATGTCAACCAGATT  
TAATTTCTAAATGTACTTGTAATTTGTAATTTGAATTTGAACAATTGAATGTAGACTGAAATGCAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4003 NM\_123752|Arabidopsis thaliana ARD4; acireductone dioxygenase [iron(II)-  
requiring]/ metal ion binding (ARD4) mRNA, complete cds

AGTTTCAACACTCAACCGATGAGAGAGTTCTGTTTCTCCGCCGTCCACTGCCTTTAAATTTGGAGCTCCATTT  
TTCATCGGAGCACATTCTCGACCATTCAACTCAGAGCAGGTTCAACAATGGCCATCGAGGCTTGGTTTATGAA  
CGATAGCAATGAAGACCAGAGGCTTCCTCATCTCAAACCTAAGGAATTCGTCTCCATGAACCAATTGGCA  
GAATTAGGCGTTTTGTATTGGAATTTGAACCCTGAGATATATGAAAACGATGAGGAATTGAAGAAAATCAGA  
GACGATAGAGGATATACTACGTGGATTTACTTGATATATCTCCAGAGAACTTGCCAATTACGAAGGGAAAT  
TGAAGGATTTCTACACAGAACACATTCATGCCGATGAGGAAATTCGTTACTGTTTGGATGGCAGTGGCTACTT

TGATGTACGGGACAAGAACGACCGTTGGATTCTGAATCTGGATTAAGCCAGGCGATCTTATCATCTTGCCGGCT  
GGTATCTACCATCGTTTTACTCTGGACACCAATAATTATACCAAGTTAATGAGGCTATTCAAGGGAGAGCCAGT  
TTGGACCCCTTTAACCGACCACAGGAGCAGCACCCGGCAAGGAAAGAGTACCTCAAGTCCTTCACTGAGAAA  
GCTGGAGTGGCACTCAAGGCTCATTAAAGATTTGTGTATTCTTCTGTACTATGCCATTTAATACAAAGCTATGG  
GGTTAGCTCAGGTCATGTATTGCTGGGTATGGCTTAGATTAATACTGTATAAATATGGCAACTGCTGTTGAA  
ACCCTGTTTAAGTAAATGTC

>trans\_c\_4004 NM\_105744|Arabidopsis thaliana CRR23 ((chlororespiratory reduction 23) (CRR23)  
mRNA, complete cds

ATCGTATGAATTATGATTTAGTTATTGAAAGAGTACTGAACAGAGCTTTTGATGAACATGAACTGCTGCAGCA  
TTGGCCTTCTTCACATCCCCAAGGCCTTGCCTTCTCTCCTCTTCCAAAACCTTTTTCCCTTCTCTCTTCTCCCT  
TTAAGCTTCACAATTTGAATATTTGCCTTCCAATCAAACCCCAAAAATTTTGAGATAGTCGGAAGTATCAAA  
GAAGAAGATCCCATTTGGGTATCTTGATAAAAAGAAAACAAGTTTAGCTCTTCAACTTGCTGCCTTTTAGCCAC  
TGTTGGGGAGCCAGCAAGTGCAGTAACAGGAGACAACAACCATGAAGTTCCTTTAACATGGGTTTTGGCACA  
ATTAGGCTTTGTTGGATTCTTTTACTTCCTTGTCTTCTCCTCCGATCATCATGAATTGGCTGAGGATAAGATGGTA  
TAGAAGAACTTGTGGAAATGTATATCCAATTCATGTGTGTCTTCTTCTTCCCTGGAATTCTATTATGGGC  
GCCATTTTTGAACCTCAGAAAGTTCCACGAGATCCATCAATGAAGTATCCATGGTCAACACCTCAAGACCCAT  
CTCAGATAAAAAATGCATACTTGAAATACCCATTTGCTAAGCCTGAAGATTATGATTGGTAACCGTCGTCTGCA  
AAAATTCCTCTTCCAAAGGCTCAACCTTTTTCTTCAAATTCATGAATGAAAATTAATATATACTTTGTTGTAATC  
TTGTATAATCCACATCATCCAAGAAAATATATCAGTCTTGTTTCTTTGATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4005 HQ456923|Solanum lycopersicum auxin response factor 17 mRNA, complete cds

ATAGAGGTCCACAAAAATCTGGGATGGTGAATGGTGAAGCTGATCTGTTTTACCTATGATGAGATTCGGTGA  
TTCAACAATGGGGCAATTCAATCAATCATTGTTGAGTTTTAACTCTTTTCTGCTGGCATGCAGGGAGCCAGGC  
AAAATTTTTTCCGTGAATCTGGGTCTTTCAATGCATATAATGAAATTTCTCCACCAACATCTGATGAAAATTCTA  
TGTTCAAGCTGAACACAGTGCCAAAGACACAAACGGTGTCTACTGATCTCCATATTGGTAGTGCGCAATCGGA  
TACCTTATCACCTGATAGTCAGGCTAGTGTTCTTTCTTTGCCACAGGAACAGCTGAGAACCAGAGCTGCAACT  
CAACTAAAGCTGGAGTAAATTCATTCCAATTGTTTGGTCAAATCATCTATATGAGTCCTCTGTGAAAAAGAA  
ATTGACAATGGTGCTGACAGTGATGATGGTGACAAGAAGCGTAAACAGTGCAATTGATAATGTCTTAGTAAA  
TGGTAGTTACATCTTTGTCTTGCGTAGAAGCAGCTGTACAGGTACTTGAGCTAGGCAGGAAGCTGACGACAAT  
ATCAACATCTGTAGCTGATTGTTTTACTTTATCCTATGGTAGTTTGTTTAGTCTGACCTCAAAAAGTCTAGACT  
CTTTGAATTTTTATTGACGTTTTTGTTGTTTTTTTTTTTTCATGTTGACATGACAATGCTTTGGATCTTGTTGA  
ACCGTTTTAATGTTTTTCTAGTGTGGAATTGAATGGTTGAACTTGAGAACTTGAGACATGATTTGTTCTTGA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4006 AF378891|Arabidopsis thaliana AT4g08280/T12G13\_120 mRNA, complete cds

TGAGGAGGTGGGGAATTTGCAGTGGCAAGAACCAAAACCTCCGAAATTGGAAGCAAGAATGATATCTACAACCTG  
CTGCGAGAATAGGGCGACCTTCTTCTTACCTTTATCACTACTCTTGAAACCTCATACTTCTCGCCCGATTCTGA  
CTCCATCTGCTTCATTTTCTTCTTCTTCCCTCTCGCAAACCTATTCTCTACTCCAAACCCGGATGCTGTTTGTGC  
GATGGCCTCAAAGAGAACTACACGCCGCTTTCTCCTCTCCGGCCCCGATTCTTTCACGACGTCCACTTACA  
GGTGAGGGATATCACTACTAACCCTGAATGGGAGAGAGCTTACCAGTATGAGATTCCTGTGCTTGCGAAAGT  
CCGCTCTGATGGCTCGGAGAGGCCCATTCGAATCGAACTTCTATGTGGAAAAGATAGGTCCTGACAGAGAA  
GCCTCTTATACTATCAAAGTTGCCCATTTGCTACTTCTATTTCATTTTCTGTGCTTAAATTTTCTGTAACTAAGT

TCGCTAGAACTACATACCTTCCTGGAACCCTTAGTATGAGCCAAATTGTTTGTGAAATTTCTTTCTTAGAGATAA  
AAATATGAAACAAGCTATTGGAAGGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGCCCCCAAAACTTAATCAATCCCG  
CCAACCCAGGGGGGGCCCGGGACCAATTTCCCCTAAAAGGAGGCGTAATACCCCGGTCCCTGGGCCGCC  
TTTTAAACGTCCGGGAC

>trans\_c\_4007 AB077113|Prunus persica mRNA, microsatellite marker M9a

AATCCCTCAAACCCTACTGTCATTCCATCTCCTCCGAGCAGCCGAAACCCTAGAGTGTGTGTGTGAGAGAGAG  
AGAGGGAGAGGGAGAGGGAGAGATCCGCCATGACGACTCGTTTCAAGAAGAACAGGAAGAAGAGAGGACA  
TGTCAGTGCCGACATGGTAGAATCGGCAAACACCGAAAGCATCCTGGTGGTCGGGGAAACGCCGGAGGTA  
TGCACCACCACCGGATTCTCTTCGATAAGTATCACCTGGTTATTTTCGGTAAAGTCGGTATGCGTTATTTCCAC  
AAGCTTCGCAACAAGTTCTATTGCCCCGATTGTAAACGTTGACAAGATCTGGTCATTGATCCCTCAAGAAGTGA  
AGGATAAAGCCTCCAAAGACAACGTTCCATTGGTTCGATGTTACGCAGTTCGGATATTTCAAGTTTTGGGCAA  
GGGTGTCTTACCGGAGAATCAGCCTATTGTGGTGAAGGCCAAGCTTGTGTCCAAGATCGCCGAGAAGAAGAT  
TAAGGAGGCTGGCGGCGCGGTGGTTCTTACAGCTTAGGTTTGGGTTTCTTTTGTATAGAGATTTTTGTCTT  
GGTGAATTTTCATTTTGTCTGGTTGAAGTTATTGAAGTTCTTTTCTTTATAATTTAAAGCTTTTATGGGTC  
CATATTCCATTATCTGATGCTATGTTCAAGCTCTGTTCTTACTCAATTAGTGTGGATTCTTAGACTATGCGAGA  
GAAATATATGGTTGATTGAAGTTAAGGGTAGTGCAATAAGAATGCCTATAACCACTCACCTTCGCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4008 BT004784|Arabidopsis thaliana At3g03150 gene, complete cds

CCATTTTCTTCGTCTTCATCTCTCTCCCTCTCTGCTTAGGCGCAGTTCTTTCTGGTTCTTCGTTTTTTCTCCATC  
TCTCTCTCTTAAGCCTGAATTGTATGGCCGCTAATTCGAGGAGCGCAGGAGCGATCGCCGGCTTGGGGAAAC  
GAATCACCGACCAGATCTGGACCAGCAGCGATTCACTTCGTAAGTCTGTGATCTTCTCTGCTCCGAAGTTC  
AGGAGGGCAGCTCACACCTCAGTGTATGACAAGAATCCAGAGGAGCAAGTTCGACCATCCATAGTCCAGAT  
GATGTGATTCAACCTCAAGCAGCTGACAAATACTGGGCTCCCCATCCACAAACCGGAGTTTTTGGACCGACCT  
CAGACAATCCTGCTGCGGTGGCGGCGGCCAACCGTGCAGCAGATGTTGGCACTACTCGGCTGCGGAGGAG  
GAAAAAGCTTGGTTCCGACCAACAAGTCTGGAGGATTCGGAGAAGCCCCACGGGTTATAGAGTTGGTACTTT  
TGGCCACAAAACATTAGTCAAGAAGTAGCAGTCAGCTATATTGACGTTTATTAATAAAGAAGGGTTGTTTGT  
TTGTTTAATGGTTATACTAAAGTAAGTGTGTCAGTGTGTTGTGTTGCTTTAAAGCAATGTGGCTGAGGAATCA  
ATATATGGTCATATGGTGTGTACCAAATATATTACGTTGTTTGGATGTTTTTATGCTCTTCTTTGACTATGCA  
AAATAGTGTGGTTTTATGACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4009 AF412060|Arabidopsis thaliana At1g75220/F22H5\_6 mRNA, complete cds

ACGGAGGAGTTTGAAACATCTTTGCAAGTTCTTCGTGGGTTTGACACTGATATTACCGTTGAAGTAAATGAAA  
TCAAGAGGTCTGTAGCTTCAGCCAACAGAAGAAGAACTATTAGATTTGCTGATCTGAAGCAGAGAAGATACT  
GGTTGCCTATGTCGATTGGCATAGGATTACTTATCCTGCAGCAACTGAGTGGAATTAATGGCGTTTTATTCTAC  
TCCAGTACCATCTTTGCATCCGCCGTATTACCTCAAGTAATGCAGCTACAGTTGGCCTCGGCGCTATCCAGGT  
TGTTGCCACTGCAGTTACAACATGGGTGATCGACCGAGCTGGACGTCGTCTTCTACTTATTATCTCCTCTGCTG  
GAATGACTCTTAGCCTTTTGATTGTTGCTGTGGCATTCTTTCTGAAGGATGCTGTCTCGGAGGATTCCAGTTTG  
TATAGTGTAGCGGGGATCGTGTGCGTAGTTGGAGTTGTGGCAATGGTTGTGCGATTCTCTTTGGGCGTTGGA  
GCAATTCCATGGATCATAATGTCTGAGATTCTTCTGTGAATATCAAGGGTCTTGCTGGTAGTATAGCAACCTT  
AGCCAATTGGTTTAGCGCATGGGCAGTCACAATGTCGGCGAACCTGCTCTTACAATGGAGCAGCGGAGGAAC

ATTCACAATTTACTTGGTGGTGAAGTCTTTTCATGGCGCTATTCGTAACACTTTGGGTTCTGAGACCAAAGGCA  
GAACCCCTTGAAGAAATCCAGTTTTCTTTAGATGAATCCTTTCTTTCTTTCTATTTGATTTTATAGTTAGGAA  
GAGGAGGACATGTCTGC

>trans\_c\_4010 AY105253|Zea mays PCO131351 mRNA sequence

AACGAAACGACGACTTTTTTCCCGACCTCCAAGCTCCGGTGAGAGATTTCAAGACTCTTCAACTTGACCCGAAT  
TCTGAGATTTACCGTTGGTTCTTCATCGCCTTTTCCACCGCTGCTATTTCTGCATTTTTTTTCTCATTTTCTAT  
TCCAGGTGGCTGATTTACTTGACATTTGAAGACTGCATTCTTGTTGATATTCACTGTCATGGCATCTAGACGGA  
ATATTCGTTATAGCTCCCTTGCCTCTGATGATAACGATGTTGATTGAGAGGGAAGTCGATTTGATCCTCGCTTTT  
ACTATACACCAAAAGCTTTTGACAAGATCCCGTGGAAATCCATTGCTCTTGCTATCTTCCTGTTACTTCTTGGAT  
CATTGCTTCTCTTTCTTTCGTACTTTGTATTAACCGGTCACATGGCAGGAGAGAAATCACAAGCTTATGGTCTTT  
TAGCATTGGGGTTTCTTACCTTCTCCAGGCTTTTATGAGACTAGAATTGCATATTATGCATGGAGAGGGGCC  
AATGGATATCGCTTTCATCCATTCCCGATTACTAAAGCGTTCCTATCTCAATGGTGTATGCTTGTCCCATCTCT  
CTCTTTCAATGTCAAATATCATATAAAAGTCAGAAAATGGTTTGTACAGAATCACGTCTCTCGAGTTTGTAAAC  
GTATTTGTCCTTTGTTTCTTCTCATTCTCATAGGTTGTGTAGGGTCAGGAAAATGATAAATGGTTTAGCTTTAAT  
TCTTTAGCTTGAAAAGTCTTGTAGTTAAACTCAAAATCTTTATGCCTATGAGAATACTTGCTAGTGAGATTATTC  
TAT

>trans\_c\_4011 AJ251808|Lotus japonicus mRNA for calcium-binding protein (cbp1 gene)

TTCATCTTCTTCATCTTCTTCACAGTTTCTCTGTTCTAGAAAATTTTGTAAACAAAGCCCTAATTTCTCTCCCA  
TTTTTCTCAGCAACCAATCGAACCTCCACCACATACAAATTTCCCATGCGCAGCCATTTTCTTCAGGAATTTT  
CCCCTTTTTCAATCTCCATTTCCACATTAATCCCCTCCTTCTCCTCTCTCTCTTTCCATTAAACCCTTAAATCAC  
ATTCTCCCATCCTCATCGCTTTTAAATTTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTCTCTCTCTCTCT  
TTCACCTACTCAAATCTCCTCCTGCCCTTCGCCGGCCGGCTGAGATTTATCTCTCACCCAATCCACAAACACAG  
TATATAATATAATCATTTTACAAATGGATCCAACGGAACCTACGAAGAGGATTCCAAATGTTTCGATCGCAACGG  
CGACGGCAGAATCACCAAGAAGGAACCTAAGCGACTCCTTGAGAAATTTGGGAATTTTCATTCTGATAAAGAT  
CTGACTCAAATGATTGAGAAAATCGACGTCAATGGCGATGGATGTGTGACATTGATGAGTTCGGTGAGCTG  
TATCAGTCGATTATGCACGAGCGAGACGAGGAAGAGGATATGAGAGAAGCTTTCAATGTCTTCGATCAAAAT  
GGCGATGGATTCATCACCGTCGACGAATTGAGGTCAGTTCTAGCTTCTTGGGGCTTAAACAAGGGAGAAT  
GTAGAGGATTGCAAGAAAATGATAATGAAAGTAGATGTGGATGGAGATGGAATGGTGAATATAANGAGTTT  
AAACAAAT

>trans\_c\_4012 XM\_002872600|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata esterase/lipase/thioesterase family  
protein, mRNA

AGAGAACAACAACAACAACAACATCATCATCATATAATATAGAGGTTTTAGAGCTTTTTCTTTCAAACACAAC  
AACTCAGAAGAGATAGATCTCAGATCAAAATTAACATGATCTTCTAATATGGGAATCAAAGGCGTCTCCTCGG  
CGCCCGGCGATTTCTACTTCAAGTCTCAGGTTCCCTTACCGGATTCCTATTGGTACCAAGCAATGGCGA  
TACTATGATTTTGGCCCTAAAGTTGTACCGCTTCTATCTGCCTTCTGGTATTGCCGGCACGGCCGATGTCTAC  
TACAAACAAATATGTTTCTCTCAATGAAGGGTTACCGGGTAATTTCTGTTGACATTCCACGTGTATGGAATCA  
TCAAGAGTGGATTCAAACATTTGAAAAGTTCTTGGATGCCATAGATGTTTCATCGTATACATCTCTATGGCACTT  
CACTTGGGGGATTTCTAGCACAGCTATTTGCTCAACATCGGCCAAGACGTGTTAAATCTTTGATATTATCGAAT  
TCATATCTTGAGACTAAAAGTTTTTCTGCAGCAATGCCATGGTCACCAATTGTTAGTTGGGCACCCTCTTTTTTG  
CTGAAAAGGTATGTCTTAACAGGAATTCGCGATGGCCACATGAACCTTTCATTGCAGATTCTGTAGACTTTGT  
TGTTTCTCAGGTAACATGACTCAGTTCAGTTAGTAATGGATCAGTTCTGGTCTTCTAGATGGTTCACTGTTTCT



TGTTTTGTTGAACATGTTGTAATTCTGATTGAAGTGTGCAGTATATTTTAGACTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_4013 XM\_002332387|Populus trichocarpa cytokinin oxidase, mRNA

ACCTCTTCTGCCTTTTCTCCTTAGAAATAATAAGAACATGCTACCGCTCCTTTCATCTTTAACTTCAGAGACTTGT  
ACCCAAAGAAAAACAAGATATCCACCAGTTAGCTTCCTCAGACAAAAACAACATGCTTTCATTTCGAAGCTTCGT  
GATTTTCTTCTGAGTTTTATTGCTTTTAGGATGAATCTATGCTTCACAGGCATCCCTTCTTCATTGAAGATGCTT  
TCCATTGACGGGCATTTTGAATTTGATCGAGTGCAATTTGCCGCAAGAGATTTTGGTAATAGATATCAATTCTT  
CCCTGCGGCAATCCTACATCCATCATCAGTTTCTGATATCGCCATGACTATAAAGCATATTTGGAAGATGGGAA  
CTCGTTCACAGCTCACAGTTGCAACTAGAGGCCATGGCCACTCACTTCATGGCCAAGCACAGGCCACCATGA  
GTTGTGATTAACATGAAATCACTTCAGGGCCCTCAAATGCAGGTTTCATACCAGAACTTCACTTACATCGATGT  
TTCAGGAGGAGAATTGTGGATAAATATCCTGCACGAGAGCTTGAAATATGGATTAACACCAAAATCATGGAC  
AGACTACCTACATCTAACAGTTGGAGGTACTTTATCCAATGCAGGGATCAGCGGACAGGCATTTTCGGCATGGC  
CCTCAGATCAGCAACGTTTCATCAGTTGGAGATTGTAACAGGAAAAGGAGATGTGGTGAAGTGTCAAAGAA  
CAGAACAGTGACCTCTTTTACAGTGTTCTTGGAGGATTAGGCCAGTTTGAATTATCACACGAGCGAAAATTC  
TGCTTGAACCAGCA

>trans\_c\_4014 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

ATAACGAAAATGAGAGGGAATTTTAAACAGAGCGGTGAAATGCGTAGAGATCGGAAAGAACACCAACGGCG  
AAAGCACTCTGCTGGGCGGACACTGACACTGAGAGACGAAAGCTAGGGGAGCGAATGGGATTAGATACCC  
AGTAGTCCTAGCCGTAAACGATGGATACTAGGCGCTGTGCGTATCGACCCGTGCAGTGCTGTAGCTAACGCGT  
TAAGTATCCCGCCTGGGGAGTACGTTTCGAAGAATGAACTCAAAGGAATTGACGGGGGGCCGCACAAGCG  
GTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAAAGCGAAGAACCTTACCAGGGCTTGACATGCCGCGAATCCTCTTGA  
AAGAGAGGGGTGCCTTCGGGAACGCGGACACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCGTAAGCTGTT  
GGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCTCGTGTTTAGTTGCCAACCGTTGAGGTTGGAACCCTGAGCAGACT  
GCCGGTGATAAGCCGGAGGAAGGTGAGGATGACGTCAAGTCATCATGCCCTTATGCCCTGGGCGACACAG  
TGCTACAATGCGGCCCTGTTAGGGTCGTGATCCCGCGAGGGTGAGCTAACTCCAAAAACCGTCCTCAGTTTCG  
GATCACGAGCTGCAACTCGCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAA  
TTCGTTCCCGGGCCTTGATACACACCGCCCGTCACACCGCCGGCGACTCATAGGCAGTGGCTTGGTTAAGGGAA  
CCCACCGGAGCCGTAGCGAAAGCGAGTCTTC

>trans\_c\_4015 NM\_001068508|Oryza sativa Japonica Group Os08g0459300 (Os08g0459300)  
mRNA, complete cds

TTTCAGTGGCCATTTCTGTTTCTGAAGCTTATGGTTTCAAGTTTTGTGTATATACTGCATTTTTTGGTTCTAGA  
TTTGAAGATTCTCTTCTGGGTATGTTGTAATTGATCTGCATTTGACGTGGGAGCTTCTATTTATTTGGTCATTTG  
CGAATGTAATGCTACTGGGTCTCTCCATTCTGACCTAAACAATTGATTGGCAACTTCAATTAACGGCCACGAAC  
ATCTCTAAGTTCAGATCTGTAATAATCTGCAGCTTTTCGTTGTTCAAACTGTGGTTCGAAGTTACACCTGCGT  
GTCACTTCTTAACAGTGTTTGCCCTTTCCTTTGATTGATGAGTTTCTGTATTTTGTCTTCTTCTTGAGAGTAT  
GAAGTAATCCCTTCTTCATGTAGGCTTGAATCGAAACTTACTGCTATTGTTTGAACAGTTGCAGCAATGT  
GACCGATAACCCTGCTGATAAACTAGTAGATGTGCTGAACAAGAACAGAACGGCTCATAAGTTATCTCCTCTA  
AAAGACAATCCTGGCTTGGCATGCCTTGCTCTTCAGTATATTAAGGCGTACCAAGGGAAATGTGAAGCGGTTG  
GAGGTCCCGACGGAATGAAGCCTCCTAATTCTGCGTTTGCTGAACTTTTGCTCCTAACTGTGGCGTTGTTGTA  
TCGTCTCTTGACCAATTACGGGGCGGTTGCTCGGTTGCCAGTCTAAATATGTACATGCTCCCGAAGCATTTTC

ACGCCCTCGGATTTTCCCCCTCTCCTCTCGAATTCGTAAGATTGAAGGTTTATGATCTTTCAATTATTTCATT  
ATTCAAGTTCATGCCTTGTGCCAGTTTGATTTGGATTGATGTTGGGAGGGATTGATATTGGTTGAGAGTTTCC  
ACTTATGTTTTGTTTGTGGCTTAACAGTAAATGATTTGATTCTCCTTTCTCCACCGACGTGTGTAACAGAAAAA  
TTTGTACTGTGGCAGGCTAGTTAAGTGGAAGGTAGTGGTGTATTGAACGAGAAATGCCTCATTCCTCGAGG  
GATTTATATTTGACTTTTTTACGTTCTCGTCATCATTATGAAATGGCCGATTTTCTGCCTGAGTAGTATGGTCG  
AGAGTAAATTTTAAATGTTGGGGAGGAGCTATGGAGGGAAACATTACCATTACAGATGGGTTCTCGCTTGT  
ATCGTCTTCAAGGACTCAAACCTGATACGTGGTATGAAGTGAAGATATCATACCCGGGATCTATACCTGCTAG  
CTTCTCGTTAGAACTAAAGAGAGACTTGACAAGCCCTGTTGAGAAGCAGAGCAGAAAGTTACTTGATACTGA  
GAAGCTTATTTTCAAGACAGAGGGCATGAAGTTGCAGGGAGATCAGGTTGATGCGCATGTGTTGGTAACTGT  
GAAATCCGAGGGAGTTGTTGCCATACCATCTGTACGGGAAAGGGAGTCGATCGTCTTCAATATAGTTTGTGAC  
GAACTACTTATTGGCATCCACACAAAGCTTGGGGGGTTGGAGGCTTGTTATATTCTGCTTGATATTGGCATT  
CATCATCCCATCTCTTT

>trans\_c\_4019 NM\_001070104|Oryza sativa Japonica Group Os09g0498800 (Os09g0498800)  
mRNA, complete cds

CAGGGGTCTTTCCCATCATCAACTTCTCATCTCAATCCTCCACTGCTTAATCTTCTTCTTCATACACTGTTACT  
GTAACCTCAAGACCAAGATCTCTCAGCTGCAATGGGGTGGATCTGAGACAAGTTTTGGCCGGCATACTCACT  
CTCACTATGTTTCGTATGCTTGGCCATATGATCAAGCGAGACCACTTTGATTCCGTTCAAGAAAAATTTCCAGG  
GCCAACTAAGGATGCTACAAAAGTAACAACAATGCGCAGCATCCACAAAAAAGTGACGTTCAAGTTGAAAAA  
TGATGTGCTAGAGCTAAAACAATGTTGGAGTAAACCCGAATCTGATGAGGGGCAGGAATCAAAGGGGTATGT  
CACTTTTTTCATTGACTGATGGTCTGAATACCATGTCTCGCAGATTGCTGATGCCGTAGTTGTGGCTAGATATC  
TAGGTGCGACTCTTGTGTCCCAGATATCAGAGGGAAAGAGCTGGGAGATAAATGGAACCTTTGAGGATATTT  
ATGATGTCGAGAAGTTCATTGGAAGCCTGGAAGGAGTTGTGAAAGTAGTAAACAACCTGCCATCTGACATCT  
CTCCAAAAAGATTTTCGGCTGTAAAGTACCAAACCGAGTTACAGCAGATTACATTCGGAACATGTTGAGAA  
GGTTTTTAAAGAAGTGGAACATAAGACTCGCAACTTACTTCCCTTCAGTAAATATGAAAAAATCATCCACAT  
CAAGTGATGGTGTATCAGTTCCATGTTTGGCAATGTTTGGAACGTTGGAGTTGCAGCCAGAAATAAGTGAGGT  
GATTGAATCCATGATGGAG

>trans\_c\_4020 DQ839408|Cucumis sativus monoecious line (ff) branched-chain amino acid  
transaminase (BCAT) gene, exons 8 through 10 and partial cds

CAATATTTTTGTTGTGAGTGGAATGTGATATCCACTCCTGCCATAAAAGGAACAATATTACCTGGTATTACGAG  
AAAGAGTATAATTGACGTTGCTCGTAGCCTTGGATTTCAAGTTGAGGAACGACTTGTGGCAGTGGATGAATTA  
CTTGAAGCTGACGAGGTCTTTGTACGGGGACAGCAGTGGTTATACCTGTGGGCAGCGTCACGTATCTTG  
GAAAAAGGATTGCTTATGGAAATGGTGTGGGGTTGTTTCAACAACCTCTATTCCGTGCTTACCAGATTACA  
AATGGGGCTTATCGAAGATAAATTGAATTGGACCGTCAGTCTATCGTAGGCATAGGCTGATTTTGTAGAATCA  
TCGTTTACCCTTCTGCCAGTCCCGAGAGATTTTGTAAATTTTCTCCAGTTCTAATTAACGGTGTAGATAGTT  
TAGAAAAATGTTCCAAGAATAATGTAAAGGTTTATCTGTATGCTTTGTTTGAAGTGAATGAATGGCCGATG  
GTGTTATGAATATCGAAAATATTTTGCATCAAATCACAACAATTGTTGGTTAGGAAATTGAGCTTCAATTCTC  
TAAAGATGGGGTGTGCAATACCACTGACCGAAAACCCGAATAATTCTATCTGTGTGTAAGGAATAATTGGT  
TGAAGTGTACCAATTTTTAGTTACACGTAGGGCTATATGGAATTTGACAAGTGTAAAGAATAATAATTGAACT  
CCATCGCTATATTTTGGACGATCTAGACTGTTGAAATAAATATGCATTGATTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4021 NM\_101466|Arabidopsis thaliana NDF1 (NDH-DEPENDENT CYCLIC ELECTRON FLOW  
1) (NDF1) mRNA, complete cds

TAAACAGACGTATGAATTGAATAAGAATGTGCGATGGTCTAATGTGTATGATCCCGATGATTATTTTCTGAAC  
CAGCAGAGTATACTGACATGGTTGGAGTGCTCAAGGGCAGGTATTATGACATGGTCTTGTCACCAAGCTAG  
CAGGGATTGGGCATGCTGTGTTTTTGTATGACAACAGCCAGAGACAGAGTGAGCTACATTTACCCAGATGT  
GAATGCTGCTGGAGCAGGGCTATTCCTGTCCGAAACATTTAAACCAGAAAGCTCTAATCTTTCTGAGGGAGGG  
TTCAACATGTATCATCAAATGGTTGACTGGTTAGGGAGGCCATTTCTAGCGTTCACAGGCATCCCGTTCTCTCC  
ACTTAAAGTTTCGATCGCGAGGAAATTGAAGGAGGTTATAGCAGAAAAATATAAGAAAGCCGGTGTGGAGA  
AGGGAAAATATATTGTGATTCATGGAATAGAATCAGATTCAAAAGCCTCCATGCAGTCCAAAGGTGATACTGA  
TAGCTTGCTACCCATTCGAGCTTGGGCAGAAATAGCCAATTGTATAAGGGGATTCAAGCCAGTCTTTGTCACTC  
CACGTGAAAAGGAACGGGAAAATGTAGAGGAGGAGGTGGGCAATAATGCAAGCATTGATTTATCACGACT  
CCCGGACAGCTAGCTGCTCTGATTAATGACTCGGCCGGTCTAATTGCTACCAACACAGCTGCTGTCCAACCTCGC  
CATTGCTCGTGAAAAACAAGCATTGCCTTGTTTTGCTCTGAGGAGAAAGCAAACTATTTGTTTCCGACGCTGA  
AGCAAAGAGATGCATCACAGTT

>trans\_c\_4022 XM\_002316297|Populus trichocarpa pseudo response regulator, mRNA

TGAAAAATCAGATAACAACACTGGGAGTAATGATGAAGAAGAAGACAACGAGAGCATTGGTTTCAATATTGC  
TGATGGGAGCGATGATGGTAGTGGCACACAGAGTTCTTGGACTAAGCAAGCTATAGAAGTTGAAAGCCCTCG  
ACCAGTATCTGCATCAGCATGGGATCATAAACGTGAACGTCCTGATAGTACTTGTGTTCAAGTTGTTCACTCAA  
ATGCTGATGCATTTGCCAATAATGCGGCAATTATTTTGACAGCAGGGTGCCAGGTGCAGAAAAAGCAACTTGA  
AACTGCTACCTTGGCTAAAGTTGAACTAGGCATGCACAGAAATCTAGATTTACAACCTGAACTCTCTACGGAG  
CATCCAACCAAGCTAGTTAATAGAAAACAGAACATCAGGCTTGAGATTGGGTCTAGTGGATTCAATGAGCAGT  
TCAACAAAGGACATCTCGACCTCAACTCTGAGAGCCCATCGAGCAAACCTTAAGTATGAGGAAACAACTGTTAC  
TGGTCTTGGTACCAATCTTACTGATTCCAAGATGGATGTCACTGTGTTTGAGGCACCGAGCTGCCATCCCAAGA  
CCACGGACATTAAGAATAAAGATGTTACAGATTCAGAAGATTTTCCATCTCTTGAGCTTGGGTAAAAAGGCT  
TAGAGGAGTTCAAAGACAGGGAAAGCAGTCCAAGATGAGCGGAATGTTTTGAGACGCTCAGATTCTTCAGC  
TTTTTCTAGGTACAATGCTGGCTCAAATTCTAACAAGACTCCAAGTGAATGCTGGAAGTAACTCTCCACCTA  
GCAACTCTCCACCTGTGCCGTG

>trans\_c\_4023 NM\_001049073|Oryza sativa Japonica Group Os01g0238600 (Os01g0238600)  
mRNA, complete cds

AACGCGAAATTAATTTCTTAGGGTTAGGGTTTTGACCCTCAGGGTTCGATTTTCATTCTCCATTTACGTTCCAT  
TTTCATCGGCAACAGGAATTCGTTCAAATTCTTGGATTTCCATGGCGACGCCAGCAGCGAATGCTCCCGCAA  
GAGGAAGCCTGTTTTCGTAAAAGTAGAAGAGCTAAAGCCTGGAACCAGCGGCCACACTCTCACCGTCAAGGT  
TGTGAGTTCCAAAAATGTTAAGGTTGTCAATAAAGGTGGACGATCCACCATGCTTACTGCTCGCCCTCAGCAA  
TTAACTCGAATCTCTGAATGTCTTGTGGTGATGAGACTGGTTCATCGTCTTCACAGCTCGAAACGACCAAGT  
TGATATCATGAAGCCAGGAAACACTGTGACCCTAAGGAATGCAAAGATTGATATGTTCAAAGGTTCTATGAG  
GTTAGCAGTAGATAAATGGGGACGAGTTGAAGTAGCTGAACCAGCCAACCTTGAGGTTAAAGAAGACAACAA  
TCTCTCACTGGTTGAATATGAATTGGTTAACGTTGAAGAATGACTTGAAATTATGCAATGTTAATTATCATGGA  
TTTACTTTCTTTATTGTGTGGTGGACTGCTATTTAACTGGTATACATTTTCTATATGGCAACACAAAAATCTTGC  
TGAGAGTAATATAAGTTGATTATTGATGTGCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTGATAAAGATCTTC  
AAGGGCAAAGTGCAAATGTTACTTTCTGGTCTACTTATTATTTGAAAAGTAAATAGAATGCTTTACCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4024 AB104856|Daucus carota DcADH mRNA for short chain alcohol dehydrogenase-like  
protein, complete cds

TTGAGACACTATGTTGTCCACCAACGTCTTATTATTAGCAACTTTTCTACAAGAGGGGTATTGATATACCAG  
GGTGCAACACCATTGACCCTGATATTGTCCTTGGCCATTACAAAGCAAGATATTTGGTCAGTTGATTTATTGC  
AGATTTAGTTGCAGCATAAATGGAACCACTTCCAACGCTCACGAGACCACCAACCGAAGAAATGAACACAATG  
CTTCCATTTCCAGAAGCTTTTAAAAGAGGATGAGAAAGTTGGGATAAATGATATGCAGATTCAAAGTTTGTTG  
TCATCAATGTTGAAACATCTTCAAACCTGACTCGGCAGTTGGCTTTCTTATGTTTGTTCCCGCATTGTTACCA  
GGATATTGAGAGTACCATTGAAAGAAGACGCCACTTCCTGTATCAGCTCCTCTCTTTGGGTCTTGAAGAAGC  
ATCACAACCGATCCAGTTACCACAAAACCTTGGCCTCCCATTCCTTCAAGCACTGATTGAGGTCCGATTGGT  
TCCGGGAGCAGGTGTGGACAGAGGCGCCCAAACCTGCTAGTTCCTCCACCACAGCGTGACCGATTCCGCGAG  
TGCCGCCGGTGATGAGAGCGGTCCCGGCCGTAATGGGACTGGAATCGAATTATGTATCTCTTGATCTACATA  
TGTACATTAACGAAGGAAGGAAAACTAACTCTATGCTGCAGCATTCTGCTTAATATATCGACATTTTCCGATT  
CAAATAAAAAATGGTACATACATCATTCCAATTTCTATACTAGCTGTTTAAATTTTAAAATATAACTGCTGCGACT  
TTGACGACACACCT

>trans\_c\_4025 NM\_001125635|Arabidopsis thaliana EDA39 (embryo sac development arrest 39); calmodulin binding (EDA39) mRNA, complete cds

TGAAACAAGATATGAACTACTCAAATCATTCCAGGCAGAAAGAAGGATGAGTTCCATTTACATGAAAATGCGA  
CAAATCAGAGGTTTTGTTAGGGGCACCAGAGGCAGAAGCTTTAGATGGGCGCTGTACAGACTCACAGGCAC  
CCTGGGGCTGGGAATCCCCATATATGAGAGCCTAGGAGACATCCTGATTTTCGGGCTCGGCCGTGGTGAAGG  
TATTGGAAGCGAGCCTCCGAAGAAACCTGGTGACGGTCTTGGTGACAAGTTCACCTTGCTCCAGTGCTCGTGCT  
TGCAACTCTGCTGGATACTCCTTCACACAACCTATTCTGGGGCCAACTCCACTGCTCCATCTGCATAGCAAGCG  
CTTTGGAATGTCTATCAACGCTGCCTCTCTGCTGCTACCCTGATTTTCTTGCTGCTCATTAGTTGTAACCAACTT  
GACGGGTACTGCCAAATCAACATCATCTGCAACCATGCCTTGTAAGATGTTGCCGAGATGTTTCCTCCCTCG  
TGTTGTTAAGCGAGTAGTTGTCATCATCTACCGAACACCTCTGAGTAATTAGGAAGAAATCCCCATTGAGAAA  
ATATCATGCAATCTGAAAAGAAGCTGATATAGAAAATTACATCCATGTAGTTATATATCTAATTTCTTACCTTAA  
CGTTGGTCAAGTCCACTGTATGTTCTTCAAGGAACTAATGAACTCCTTAAATTTGTTCTCTGTTGGGAGGTAA  
TGACCACTGTATGGCCATATAGCCTAAAGAAAATTCAAATGAAAACATCACCTATGAATTACTCGTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4026 NM\_102985|Arabidopsis thaliana ATNAP6 (NON-INTRINSIC ABC PROTEIN 6); protein binding / transporter (ATNAP6) mRNA, complete cds

AAATTGAAATTAGCATCAAATCAAGGCGGCGACTTCCATTCTTCGAACCATAGTCAAGCTTCTTCTTCCACGGC  
TACCTTCACATTTACTCCCCATATTGGAGGTAGGCTCCCAACCCCATCTCTCTCAGTTTCATCATCATCATCA  
TCATCTTCTTCTTCTTCTTCAAAACGAAAACCCAAATTCATTCCATTACAACCACAAGAGTCTCCCTTCAAGCCT  
CCACACCTTCACTTTCTGACCCCTTGTCTTCACTAGCCGAACTCTCGAAGACTCACTCTCTTCTTCTTCTTCT  
TCATCGCCTTTTCTCTTCAGAACTCAGAGAATCTTCCGCGGAGAATCTTCTTTTACCCCATGGCCCTCTCGT  
AGAGATGAGCCCTTTCGTTTCACTGATGTTTCTTTCATTAAGCAGTCCCAAATCCACCCAATCTCTAATCCACCG  
CAGTTTTCTGAGTTACCTAGCATCCCTTTAGAAACCCAGTTTCGCAATGTTGTAATTGTTGATGGTCATTTTCGTC  
AATTCTGTTTCAATTTGACTGAATTGCCAAATGGGGTTTACGTTGGTAGCTTTATTGACCTTCCTTCTGAGAGT  
GTTGGGAAGAGGGTGTCTGAGTTTGTGATGGGAAGTTCGCGGGGGACTTGTTTTGGTCCATTAATGGCGTT  
GGAGCTCCAGATTTGACTGTGGTGTATGTTCTGCTGGGTGTAAGGTAGAGAATCCAATCCATTTTAGGTATT  
ATTCTATCAACGGGGGCGATGAGGGGGCCAAGGAATTGGCTGTTTCGAATCCCAGAGTGTTGGTTTTGGTGG  
AAAT

>trans\_c\_4027 DQ995346|Morus alba var. multicaulis chloroplast sedoheptulose-1,7-  
bisphosphatase mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GACAAGGTGATCGAGAATCTTGACGAAAGAACCCAAGTTGCATATGGGTCTAAAGAAGAGATCATTCGTTTT  
GAAGAACTCTCTATGGATCATCCAGGTTTAAGTCAGGGGTGCCTGTTGGTGCTGCAGTTTAAGCTTAAGCAG  
TGAAAGAACATTTTCCCCAATTTTTTCTACCTTTGCTTGTTGAAAACAGAATTTAATCTTTCAGTAGAAGCTT  
GTATGAATTGTATGATAGAAATGAAAATGTTCAAGCTATTTGAAGTTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCCCCCAAACTTTTTCAATA  
CCCCCAACCCAAGGGGGGCCCCGACCCCATTTCCCCCTATAATAATTCTTATTACCCCCCCCCCCCCCTC  
TTTTTACAACCCCTAACTCGAAAAACCTGGCTTTCCCAATTTAATCCCCTTCCAACAAATCCCCCTTTCCCCA  
ATTTGCAAAAAAACAAAAACCCCCCCCCAATCCCCCTTCCAACATTTTCCCCCTAAATGGCAAATGGAAC  
CCCCCTTTACCCCCCATTAACCCCCCGTTGTGGTGTACCCCCACCTTACCCCTACCTTTTCCACCCCCCT  
ACCCCCCTTCTTTTTTTTTTCCCTTCTTTTTTCCCCTTTCCCCGTTTTCCCCCTCAACCTCTAAATCGGGG  
CTCCCTT

>trans\_c\_4028 XM\_002877905|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata universal stress protein family protein, mRNA

TTTAAAGCAATTCGAGCTCCGCGTTGTCTCTTCCCTCACGTTTTCTTTCAATCCCACTGCTCCTCTTTCACCA  
ATAAAACAAAAACGCCTCAAAGAAGAAGAAGCAACGACCAGAAACCTCAAAAATGGTGAAGGATCGGAAGA  
TAGGAGTGGCTCTGGATTTCTCCGACAGCAGCAAAAATGCTCTCAAATGGGCCATTGACAACTTGGCCGACAA  
GGGTGACACTCTCTACATCATCTACGTTAACCCCAATTCCTCAACGAATCTGCCCATCGCCTCTGGGCTGAAT  
CCGGTTCTCCTTTGATTCCGTTGTCGGAATTCCGAGAGCCTGAAGTTCTAAAGAAATACGATGTCAAAATCGAC  
ATCGATGCCCTCGATATTCTCGACACTGGAGCTAGACAGAAAGAGATTACGGTTGTGTGGAAGCTGTACTGGG  
GAGATGCGAGGGAGAAGATCGTTGATGCAATCGAAGATCTGAAGCTGGATTCTCTTGTAAATGGGAAGCAGA  
GGATTAAGCACCATTCTGAAGGATTCTTCTTGAAGTGTTAGCAACTACGTGATTACTCATGCTCCTTGCCCTGT  
TACAGTCGTCAAGGATTCAACTTTCCGCATCATTAAAGGCGTGAAATCGTTGATTACGGGGTTTTGTTCTTAA  
TCGAGTGACCTATTTACTAAATATTATGCCTCAATTACTGAACTCCTGAAAATTCTAAAAAATTCTGTTTGCCT  
CTTTGAAAACCTTGGCTTCCCTGTTTGGAGGATAATAAAATATTTGAAGAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4029 NM\_001074823|Oryza sativa Japonica Group Os11g0620000 (Os11g0620000)  
mRNA, complete cds

AGATAAAAATGGCGGGACTGAGAAAACCTGGCTATTGAAACCCATAGTCGATGAAGCATTGGCCGGAACAATT  
TTTGTAGGGAAGTTATTTTGTGGCCTTCATGTCGCCAACACTTACATCTGCACAGCTACTTTCACCTACGGTCCC  
AGCACGCTCCCTACTCTTAACCTAACCGGTGATTTCGTCTCGGCCGAGCGGCTCTCAACTCGCTTTCGGCAGAG  
TCGGTGTTGGAGACATTCGTCCTCGTTAGATCTCCTGAGAATCCTCGTAAAGTAGTGGGTAAGCGCTTGATTA  
GGAATGGAGGGTGATTCTGTTACCTATGTTGTAGACCCGAAGAAACAGTGATTGGAGCGAAACTGTTGTGGT  
TCCTAAGGGGCACGTTTGGATAGAGGGAGATAATATCTATGATTGAGAGATTGAGAAAATTTGGGGCCGT  
TCCATACGGTCTTCTGCAAGGGAAAATATTTTGGAGGATATGGCCACCTAAGAATTTTGACAGTTGGAGAA  
AAGAAAATCAAACGAGACGGTCTGGTGAGAAATTTACAAGTGCTTTTTGTATACTTCTGTTTCTGTCTCAG  
AAGTTATGCTGATGTCATCAGTCAACGTCGTCCTTGTCGACATTGATGATCTACGCAGATGAAGGTAAATTCTT  
CATTAAGCATTTAACCTCCGGAAGGAGCTCCCTTTTATGGATCTTCATGCATTGGTTCTTTTCAGAAGTCTTTCT  
AGATTTCTTATTGTATACTATTGAAACTGAAGCTTTTGCTGACTAAACATTCCCAATCACTTCACTTCAGCATAA  
CAAATCATCTCGTAA

>trans\_c\_4030 XM\_002873790|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peroxisomal protein PEX19 family protein, mRNA

AAGACCCCTTTTCCCGGGCCAGTTTTGCGACTGGCTAACACTCAATCTCTCCAAAACCTGGGATAAACCGATAGA  
ATCAGAGCAAATTCGAAACCCACTTGCGTTTTATCCATGGCCGACCATTCTGATGATTTACACGAACTTCTA  
GATAGTGCTTTGGATGATTTTCAGAAATTCGACCTTAATCCTTCCCCTTCGAGAAATGGAGATGGGGGGGAGA  
GTAGAGCGGTTCTTCTTCTGGGGTTCAAGGTTTAGGGATGGGTTTGCCTGACTTGAGGAGCAAGAAAAAGG  
GGAAGCAAAAAGTTTTCGAAGGAATCGCATGTTTCTGAAGCTCTTGATAAGCTCAGAGAGCAGACTAGAGAGG  
CGGTTAAGGGGCTTGAATCAGTGTCAGGTCTAAACCTGGTGTTGATGAATTTGGTAAAGATGCTTTGATGGA  
GGATTGGGTGAAGCAGTTCGAGGAGATGGCTGGCTCTCAGGACATGGAATCCATTGTTGAGACCATGATGCA  
ACAACCTTTATCCAAAGAGATTCTCCATGAACCAATGAAGGAAATAGGAGAACGATATCCCAAGTGGTTGGAG  
GATCATAAAGCAAGTTTGTAGCAAAGAAGAATACGAACGCTATTCTCAGCAATACAACCTGATAAAAGATCTCA  
ACATTGTGTATGAACGCGAACCTGACAACTTCAATAAAATTGTGGAGCTCATGCAGAAAATGCAAGAATGTG  
GCCAACCAACCAATGATATTGTGCAAGAGCTGGCACCTGATTTGATTTGTCTAATCTTGCAAACTATCTCCA  
GAAATGTTAGAGTCGCAGCCGAA

>trans\_c\_4031 AY109000|Zea mays PCO134375 mRNA sequence

GGTTCCATTGACAAGCATGGCTTCTCTCCCAACGGCCGCTGCAATTGCCAATGTTGCAAAAACTGCCACCAATG  
CCCGCTTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCATAACTTCGACCATTGTATCCCCTTCTTCGCTCTACCTCGAA  
CTTTTTCTCGTTTCACTCCATCCCTTCGTAAGGATAATGTCGCCGGAAGAATCTCCAGAAATGGTACACGGTTT  
CCGTTCTCATTTTGCACACTGTCATCCACTGAGCCCGTCACCAGTGACGCCTCCATTGCATCATCTTCCACATCA  
ATGGATAAGGGCGACGATGATCCGAAAAGAATATTAAGAATGCGGCTGACATGCTCGATATTAGGGTTGGA  
CGAATCATTAAGGCTTGGAGACATCTGGAGGCTGACACTCTTTATGTTGAAGAAGTTGATGTTGGTGAACCCG  
AGCCGAGGCTTATTTGCAGCGGCCTTGTTAAATATATCCCTCTCGATCAACTTCTGGATAGAAGAGTTGTTGTC  
CTTGCAAATTTGAAGCCAAGAAATATGCGAGGCATTAAATCTTGTTGAATGCTAATGGCTGCTTCTGATTCTTT  
GCACGAGAATGTTGAACTTCTTTGCCTCCTGAGGGTTGATTCCAGGCGAAAAGAATATGGTTTGGATCTGAA  
GATGAAAAAGGCAACCAATCTGATGCTGCTTCCCCAAACCAGAAAAGCTTCAATGGTGTCTTACATTCCTGAT  
GAAGATCTGACAAGACTTTCTGGCGTCAAATTTCTTACATATCCAGACTCATAGCTCTGTATTCAACCACAA  
CACTGCTCC

>trans\_c\_4032 XM\_002873902|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-dependent protein kinase  
19 (CDPK19), mRNA

AATCAGGGAGAGAGAAAATTGGAATTGAGAGAGACTCACAGACAGAGAGGAGAAGGGTCTCTGCAAAATGA  
GCTTTGACCTTCTCTCTCAGAGAACCCATGGTGTATTCACACTTTTGATTCACTTTTTCCCCCTCCCCCTTCTT  
TCTACCCTTTGAAATAACTCTTCAATCTCCTCTTTCCTTCAGTTCTTCAACAGATTCACGTAAGGACCCATTTTT  
ATTTCTGGGTGTTTTCCAACAGATTTTGATCTGGATTTCAATTCAGGATTTCTGAAGAAGAAAAGAAAAATTA  
AACCTCCGAAAGCTCGAGGATCTGATTTGATTAATGGGGAATTGCTGTGCTACTCCGGCTACTCCTTCAGGG  
CAGCAGCACAAGGGAAAGAACAAGAAGCAGAACCCATTGTCAGCTGATTATGTAGTGAGCAATGGCAATGGT  
GGTGGAAGCTGGGTGTTGAAAGATCCAACGGGTCGAGACATTTCTGCCTTATATGATCTGGGAAGCGAGCTT  
GGAAGAGGTGAATTTGGAGTAACGTATTTGTGTACTGATAGAAACACTGGAGAGAACTTGCTGTAAATCA  
ATATCGAAAAAGAAGCTGAGGACTGCTGTGGATATTGACGATGTGAGAAGAGAAGTTGAAATTATGAAGAAT  
TTGCCTAAGCATCCGAATATTGTGTCATTGAGAGATACTTATGAGGATGAACATGCTGTTCATATTGTTATGGA  
GCTTTGTGAAGGGGGGGAGTTGTTTGATAGGATTGTTGCGAGGGGTCATTACACCGACCTCTGACGACGTCA  
ACAGTGATTGTTGCACAAC

>trans\_c\_4033 BT015748|Arabidopsis thaliana At5g64480 mRNA, complete cds

ACAGTAGAGTGAAAGTAAAATAGCATAAACTTACCGAACCTTCGAATTTTGGTTCAATAACTCCCTCCCTCCTC  
TAAGTCTCCTTAGCCCGAATCTCGTCCCTTTTTTATTTTTATTTTTATTTTTATTTTTGCTGCAAATCTTACGATT  
GAATCATCTACAAGCAACAATCTCCTGAAATGATTTCCGCTATCAATCTCCGTCCACCTCGTGGCGAGATTCAC  
AATTTCCGATTCCAACCTTCGCCGTGCGCGACCTTTTCCGGAACCGAATGCCCCGCCAAATCACGTACTGCAG  
AAAGAAACTCAGCGACGCGGATCTGGCCTCCGATCTTGCAACGGAAGTGGCAAAAATTAACACTAATTTGATT  
CAGAGAGAGGAGGCGATGAAGAAGAGCAGAGCGTTTTTGTTCACAGAGCTGTGCGAATTTCTAGGGCTAAA  
ATCGGAGGAGACGAAGAGAAAGTGAAGAAGATGGAGGAAGAGGCGAAATTGAGATTGGTTAAAGAGTTT  
GTTTCGGAGTGGGGGTTCAATTTTACGCCATTGTCGGGTAGGTGTGTGAAGGAAATGGTGAAGAATATGTT  
AATGGAGAAAATTTGTATGGGATTTCTTCTGCGTCCTCGTTGACTTCTTCGTTGAAGAAAACGATGGGATTGT  
GAAACACAGATAATTAGATGCATTCATGGGATGAATTTGCATTAGGGTCTTTAATTCCTCAAAATCCATGTAAG  
CTATTCTGTGTTTTCTTTTTCTTACGGATTTGACCCTCAAATAGGGTATAACTTTTTTTGCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4034 AY354208|Cucumis melo Hemed aminotransferase 1 mRNA, complete cds

AGGATCCATATGTGCACTTGATTTTCGAATGGATGAATGGGGAGTCGACGTTGCTTTAACTGGTTCCCAAAG  
GCTCTTTCTCTCCCTACAGGACTTGGAATTATTTGTGCCAGTCCCAAAGCACTAGAAGCATCCAAAACCTTCAAA  
ATCTGTCAAAGTCTTCTTTGATTGGAAAGACTATCTCAAATCTACAATCTAGGAACATACTGGCCATACACCC  
CTTCATTAGCTCTTGTATGGATTAAGAGCAGCTCTCGATCTTCTTTTCGAGGAAGGTTTGGACAATGTGATT  
GCTCGGCACAGTCGTCTTGCAAAAGCAACAAGGCTTGCTGTGGAGGCTTGGGGGTTGAAAAATTGTACACAA  
AAAGAGGAATGGTTTAGTGACACTGTTACTGCTGTGCTTGTTCCTTCTTACATTGACAGTGCACAAATTGTGAG  
AAGGGCATGGAAGAGATACAATTGAGCTTGGGACTTGGCCTTAACAAAGTTGCTGGCAAAGTATTCAGAAT  
TGGTCACCTTGGAAACCTTAATGAGTTGCAACTGTTGGGATGTCTTGCTGGTGTAGAAATGATACTGAAGGAT  
GTCGGGTACCCTGTTAAACTAGGGAGTGGAGTTGCTGCAGCTAGTGCATATCTTCAAATAACATCCCTCTCAT  
TCCTTCAAGGATTTAATTTATCTCCCATGTCCATGTAATTATTTTTCATTTCTTCATCTCTAATACTCTGTAAAAA  
AAGCACTTCTCAATACTCTACTTCTGTTATATATTTTGATACTTTTTACTTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4035 X71439|G.max gene fusA

CAAGCCATGGAGAACTATTTGGAAGGGATCGAACCTGATGAGCCTACAATTAAGAAGCTTATTCGGAAGGGA  
GCAATATCTGCTTGTTTTGTTCCAGTTCTGTGTGGCTCAGCTTTCAAAAACAAAGGGGTACAACCATTACTTGA  
TGCTGTTGTAGACTATTTACCTTCACCAATTGACTTGCCGCCCATGAAGGGAAGTACCCCGAGAACCAGAA  
CTGATCGTTGAGAGGGCTGCCAGTGATGAAGAACCATTTTCTGGACTAGCTTTCAGATCATGAGCGATCCTT  
TTGTGCGATCACTAACATTTGTGAGAGTGTATGCTGGTAACTTTCGGCAGGATCCTATGTATTGAACTCGAAC  
AAAGGAAAAAAGAGAGAATTGGAAGACTTTTAGAAATGCATGCAAACAGCAGAGAGGATGTAAAGGTAGC  
CCTTGCCGGGGATATTGTTGCTCTAGCTGGTCTTAAAGATACCATTACTGGCGAAACCTGTGTGATCCAGATC  
ATCCTATTGTACTTGAACGGATGGACTTCCCTGATCCTGTGATTAAGGTTGCAATCGAGCCCCAAACTAAAGCT  
GATGTTGATAAGATGGCAACCGGTTAATCAAGCTGGCACAAGAAGACCCATCGTTCCATTTCTCGCGTGATG  
AAGAGATAAATCAGACTGTGATTGAAGGCATGGGAGAGTTGCATCTTGAAATCATTGTTGACAGGCTCAAGA  
GGGAATTCAAGGTTGAAGCTAATGTGGGTGCGCCGCAAGTAACTACCGAGAAAGTATTCGAAAGTTTCAG  
AAGNTAAGTATGTGCACAAAA

>trans\_c\_4036 U66276|Cucurbita maxima phloem filament protein (cPC7) mRNA, partial cds

GACATTACAACAAAACTTGCTCTAGACATCAAAGAAAAGAGATAGCAAGATGAGCTGTGGGTCCAAGAAGG  
AGTGGATCAAAATCCCTGATTGTAATACACCTTGTGTGATTGAAGTTGCAAAAGATGCTGTGAATCAACACAA  
CAAAGCGTCAGGAGATAACCTTGATTCAAAGGGTTATTGTAGGCTGGTTTTTGGAGATTGATGATCATACA  
ATAAAGCATCGTTTGTATATTGAAGTAATAAACAGCAAGGGAGTAGTCTTGATAATTTCAATAGTAATTGTGG  
TAGTAACAAAAGATGGAAAAAGAGTGAGAACACTCGTTTCATCCCATCATGGCTATCCGGATGAGAAGGATC  
TATTTATATTTTGAACAAAATTCCTGATGTTAATCAACCTTGTGTGCAAAACGTTGCAAAGTGGGCAGTGAAT  
AAACATAACAAGGATAAGAATGATTATCTAGTATATGTTTCAACTGTTGAAGGTTGGTATATTGAGGCGGCCG  
ATTATTCTGGTACTCTAGTATATAAATTCATATTAAGGCAAAGGAATGCATTGGACGTGTGAGGGACTATTGT  
GCTGTGGTGAAGGAAGAAAAACCTCTTACTGAAAGAATTAGAACACTTTTAGAGTTCTTTCCTATCCCCCAAA  
GAAATAAAAGTAGAAAACTTGCAATCTGTGCGGGTTTTTAATGTTATGTTATGTTATGTTTACGCCCTTGAC  
TATACTATATATAAATAGCCAAGGGCTTAATAAAATAAAGCTTTTCTAAAATAAATATTATTCTAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4037 AY108334|Zea mays PCO146922 mRNA sequence

AACGCCACTCCTTTCCTCCCCGACTAAACACTGACGAAAGCGAGGAGTGCAAAACCTTGCCCTTCCGATA  
ATCACCGGAATATTTTGTGGAGGCAGAGATCAGGCTTCCTTTACGGCGACTTAGGGTTTTGGTGAGCCTC



TACTTCGTTTTCTGTGTCGCCGATCTCTTTTATGGCTTCGGAGGACGTCAAACGAAGCGAATCGGCTGTTTCTA  
CGATCGTAAACCTGGCAGAGGAGGCCGAAGCTTGCGCGAGAAGGTGTCAAAGCACCCAGTTACGCTGTGCTTA  
GCATCTGCAAATCTCTTGTTGCTGGTGGAGTCGCTGGCGGAGTGTCTCGAACTGCTGTTGCTCCTTTGGAGCG  
TTTAAAGATATTATTACAGGTCCAGAATCCTCATAGCATAAAATATAATGGAACGATACAAGGCTTGAAATATA  
TTTGAGAACAGAGGGCTTTCGAGGACTATTCAAAGGCAATGGTACTAATTGTGCTCGTATAGTACCAAATTC  
AGCAGTAAAATTCTTCAGCTACGAGCAAGCTTCTCGGGGGATACTGTACTTTTACAGGGAGCAGACTGGTGAC  
CATGATGCTCAACTCACTCCTCTTCTACGTCTTGGTGTGCTGGGGCTTGTGCTGGAATAATTGCCATGTCAGCAAC  
TTACCCTATGGACATGGTGCAGGAGGAGCTAACTGTGCAGACAGACAAGTCTCCGTATCAATACAGAGGAAT  
ATTCATGCTCTTTTACGGTGCTCCCGGGAAGAAGTCCAAGGGCTTTTGTACAGGGTTGGCTTCCTCTGTCAT  
CGGAGTTGTCCATACGT

>trans\_c\_4038 NM\_103125|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S18 (RPS18B) (AT1G34030)  
mRNA, complete cds

AGAATCTGATTGACAATATATAAAATCCTTCTCCACTCACCCTCAAAGATCTCCTCTGGTTCTTCTGCAGTT  
GCGCCGCCGGAATTCTTCCAACCCCTTGCCTCTATCTTCATTGCCATGTCACTGGTAGCAAACGAGGATTTT  
CAGCACATTCTGCGTGTGCTCAACACTAACGTGCATGGGAAGCAGAAGATTATGTTTGCTCTCACATCAATTAA  
AGGTATTGGAAGACGTTTTGCTAACATCGTTTGCAAGAAGGCTGATGTCGACATGAACAAGAGGGGCTGGTGA  
ACTAACTGCTGCCGAGTTGGATAATCTCATGGTGGTTGTTGCCAATCCACGACAATTTAAAATTCCCGACTGGT  
TTTTGAATAGGCAGAAAGACTACAAGGATGGAAAATATTCTCAAGTAGTTTCAAATGCATTGGACATGAAGTT  
GAGAGATGATTTGGAGCGGTTGAAGAAGATTAGGAACACCAGGTCTAAGGCACTACTGGGGCCTCAGAG  
TCCGTGGTCAGCACACTAAGACCACTGGTCGACGAGGGAAAACTGTCGGTGTCTCCAAGAAGCGTTGAGCAT  
TTGCTTGTTTTTATAGTCGAGTATGTGTTTGGGCAAATCAAGTTCTTTGGCCTTTTAGTTGAACATTTGAGCTGT  
ACTTTCTTTTTGGAATTTTGTGTTGGGATGTGGTATTTTGGGGCCAGTTAACTCTTTTTTCTATGTCTTTGAT  
TAGGCTAGAAAAGGAAGTTTGATAGTGGCAAATGGTAAAGATTATGAATCCATATTGATCCTTTTGGTGTGAA  
AAAGTGTTGAGAGA

>trans\_c\_4039 NM\_125009|Arabidopsis thaliana dimethylmenaquinone methyltransferase family  
protein (AT5G56260) mRNA, complete cds

AATTGGCTGGTTTTGTGCCTTAACCTTCTACAGAAGAGGAAACCCCTTCTCCCTTCAATTGGTGGAAGGCATG  
GCAGCTCCAGCAACAGCAGATGTTTGTGATGCAAATGCAGCACACGTACAAACGGAGATCTCCGAGTGCTG  
CAACCGAAATTCGAAATTTACGGGCAACGGCGAGCATTTTCAGGACAGATAGTGACGGTTAAGGTATTTGAA  
GACAATGTTTTAGTAAGACAGCTTCTTGAAACCAAAGGTGAGGGGAGGGTTCTGGTGATAGATGGAAATGGA  
AGCACAAGATGTGCATTATTGGGAGGCAATCTTGGGCAATTGGCTCAAACAATGGGTGGGCTGGGATTGTT  
GTAAATGGTTGCATAAGAGATGTTGATGAGATCAATAATTGTGATATTGGTGTAAGAGCATTAGGGACTAATC  
CATTGAAGTCAAACAAGAAAGGGATGGGAGACAAACATGTGGTTCTTCAAATTGGTGGCACTTTAATTCACAA  
AAGAGAGTGGTTGTATGCTGATGGTGTGATGGGATTTTGGTGTCCAAATTTGAGTTGTCTGTTTGAATAGATAGC  
CTGATTTGAGGAGGATCACAGGAAGAAGAAAAAAACACTTTCTATTGCTTGTCTTCTAGGCTTGTTATTGAG  
TTCCTTCCAAGTGTATTGGATTAGGTTATGCTATCTCTTTCATTATACACAATGTATTTGTGATTCTAAATGAAA  
GGGTGATTTGAAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4040 NM\_001054306|Oryza sativa Japonica Group Os02g0686500 (Os02g0686500)  
mRNA, complete cds

ATTGTCCAAAAGTAAACAAAATGTAAATCAATCAGCTTGAAGACGAAGACTGTATCCATAACCCAAACACAAC  
ACTTCAAAATTCTTCTCTCTTTCTCTTTCTTCCGAATTTCTCCCCAATTCCTTGTTTCGGTGGACAGGAATTTG  
TTTATCATATCTGATCCATCTTCAGATGGAAAAATTGCCACCGAAATCTGCTTGAAGATTTTCTGCTTCTTGGA  
TTCCAGAACCTTGCAACCGCACTTCAAGGAAGTGGAACCTTAGCTTCAGACAATATCTTGTGGTCAAATTT  
ATTCAAGGAGAGGTGGGGAGAAGACCAAGCTGCATTTTATCATCCAAGTGGTTCAAAGTCATGGAAGGATTC  
ATATGAGGTGCAAGATCGATGTGATCGATTTGGAATCGGCCTAAGAATTATCCGAGAAGGGAATGACTACTA  
TCTCATTACCAAGGTGAAATCCAGAGGCACCTAGGTTCAAGAAGACAAAAGAATGGACAGACCAGTTTTCTT  
CCTTTGAGTTCGAAAAGAGAGTTCCTATCAGAAGGACTTCTCGAAGAAGACAAATCCTGTCGAGGAATTCTGG  
ACAGGATCCTTTTCTTATTGGAGACTTGGAAGTTGCTCCACAGATGCAAAGCGTAGCAGGTCTCTGTGAAG  
CTTCCTTCAGTCAACAAAATTATGTGAATTTATGTATAATATTTTATATTTGTTTATGTTGACATTGAATACTG  
GCAAATGTAAAATATACATCTCAAGTTCCTTTGAAATGCCATAATAAATTCATCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_4041 NM\_100606|Arabidopsis thaliana RPL4; poly(U) binding / structural constituent of ribosome (RPL4) mRNA, complete cds

AGTGGATAACGAGCGACGTCCATTGAGAACGCAACACATCGCCTCGAAGCTCTTCATTCGCACCAACAATGGC  
GGCTCCACTTCGCCATCCTCCCTCTCATTCTTCACTTCATCCGTCTTCCTTTCTCCCCAAAACACCAAAATCCC  
AACCTCTTCTTCAATTGCAAACCCAATTCTCTTAAACCCCAAACCAACCCCTATCCATCTCCTCCGAATCGCTA  
CTCTTCCCGTCTCTCCTTCACCGGCGAAAAAGTCGGTGAAACCTACCTCGACCTCAAATCCGCTCAGCCGGAA  
ACCGCCCGCGCCGTGCTTACCAGCGCCATTATCACTGATCAACAAAACAAGCACCGTGGGACTGCCTCGACTC  
TCACTCGAGCTGAGGTTAGTGAGGCGGTAAAAAGCCCTACCAGCAGAAGAAAACCGGGAAGGCTCGTCGC  
GGTTCGATGCGTACTCCTCTCCGCGCAGGTGGAGGGGTGGTCTTCGGGCCGAAACCTAGAGATTGGTCGATT  
AAGATCAACAGAAAGGAGAAGAGACTGGCGATATCGACGGCCGTGGCTAGTGCGGCGGTTAATACGATAGT  
GGTGGAGGAATTTGGGGATAAGTTTGAGAAGCCGAAAACCTAAAGAATTTATTGCTGCGCTGAAACGTTGGGG  
AATTGATCCGAAGGAGAAATCGTTGTTCTTAATGACGGAGGTTTCTGATAATGTGCGATTATCTAGCCGTAAT  
ATTGGAACGTTGAAGTTGTTGACGCCGAGGACGCTGAATTTGTTTGATATTTGGATCCCGATAAGTTGGTTTT  
TGGGCCCCCGGGGGTTGG

>trans\_c\_4042 XM\_002863421|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata structural constituent of ribosome, mRNA

AATCGTAGGTTTCTCTCTCCGAAAAAAATTTCCATTGTCTTGAATTACGACGGCGACGACGATGCTCAGGTGG  
TGTGCCAAGCTCCGATCTGCGGCGGCGAAGCCATCTCAAATTGTAAAATCCGTTTCTTCCACCCGCGAGGATCTT  
TCACTCTGCTCCATCACTATACCAGCCCCTCACTTCTCTCCGAATAATTTGAATTCAGGTCCCTTTTCAATGCA  
CAGACTCATTCTCGCTCGCCGCTTACCAGTGATTCGCTCTTCACTCTTGCCTCTCTCTGTTGTTCAAGTGC GG  
CATGTTTCATCAAGAGACCGGCGGAATAAGAGAAAGCCAACGACGCCAGCCACTTCCAAATTGAAGAAAACCT  
AAATTGAAAGCTTACTCGTCTTACAAGTCTAGGTTTTGGTTGATGAAGGATGGGAGCATTAAACGTCGAATGG  
AAGGGAAAAGGCACAATGCACATTCGAAGTCTAAAAGATCAAAGCGGAACTGAGAAAACCTGCCATTGTCC  
CATTAGCTTATGCCAAGGTAATGAAGAAGCTCAACTTTTGCAATTAGGCTATTTGGTTTATTCCTTACCTGTAC  
TATTATATGGATTGAACGAGCTTCAACATCACCATTCAACTGCTTCTTCATTTTCTTTTTTGGATTTCGAACTCA  
AAGCTCTTAGAACAACTAAGATGGAGAATAATTATTTCTTAGTTATATGAATTATTTCTTAGTTATATGAAGT  
GATTGCAGAGATTGTTATGATTGCAATAGAGGTTATCTTCTATTGTAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_4043 BT025015|Arabidopsis thaliana At1g73177 mRNA, complete cds

AAGGAAGAAGACACCGCCCCGTCCTCAATTCCCAGCCCCAATTGAAGCTTCATCCGTCCTTGTGCTCCCTTAA  
CGCAAGATTTCCACGCCGCCATTCTCTTCATCAGTCGCCCCTATTTCGCTCACGACTCATTGGCATTCCAGATC  
GCTCAGACCACTGGTTGGTGATTGTCTCAGATCCGGCTGCATCCGGTGGCCGCCCTTCGATCCTTGACTCCAA  
CTTCGATATTGGGTTTTAGAACCTACCTTAATAAGAAAACACCAATGGCAGAACTTAGTCTGGGTATATTGATA  
GACATTCTAGATGAGGAATGGATGAGAGACACACTCCCTCATGATGATCTTTTACTCCCTCCCGTGTCTGGTTGT  
TCGGGCTGATGACACTGAGGACTCAAATCAGGAGAGTCAGCCAGTTGATACTGATACTTGGCATGATCTTGCC  
CTAGGTAACCAATGAACCACCTTCTCCTAACTAAGGATGGTCTGTTTTCAAGAACTTGCTTCAAGTTATAAAT  
TTTATTATCATATTCTTGTCTGATTGTGATTGTAGAGTGCATATTTCTATAAAATCCATGTTGTAGATTTAGG  
TAGAAAGTGTGTTGTGTTGTGGTAAAAGAACTATGCAAGTGTGTTGTGTTGTGGTAAAAGAACTATGTACATGTT  
GGTGGCTGTCAGTTAAGACTATTGACGGATTTGCTGTTCTTTTTGTAATTTGTTGTGTGAAGACAGATTGAAA  
TTTTATTTCTTATTATGAGATCTTTGTCCAATTCCATTTGTAAAAAGACTTAGAGTTGCTTAAAGAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4044 AY307031|Hyacinthus orientalis cultivar Delft Blue ferredoxin III-like mRNA, partial  
sequence

ACAGTGACAAACAAACACGTAATTCTCTTCTCTCTCTCTCTCCAGCGCGTTCAGGGCTTCCCTTTCATTT  
CCATTTCCATTTCTCCAGATCCCTCTCTATCTCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTATTACTATTCTATTCTGAACATGTCG  
ACTGTCATACTCCCAACATCTTGCCTGATCAAGACTCCTACACTAAGGAGATCCAATGCCCTGGTGCAGAGACC  
ATCTTCTTTGTGTTCCCTTAGGAGCGTATCCCAATCATTGGATTGAAGTCTTCTCAATCCAAAGTGTGAGCAAT  
GGCTTCTTACAAAGTAAAATTAATTGGACCAAACGGTGAAGAGAATGAGTTTGAGGCCCTGATGATGCTTAC  
ATTCTCGACTCAGCTGAGAATGCTGGATTGGATTACCTTACTCTTGCAGGGCCGGGGCTTGCTCTACTTGTGC  
CGGTCAAGTAGTATCCGGGACAGTGGACCAAACAGATGGATCGTTCTTGGACGACAAGCAGATGGAGCAGG  
GGTATGTCCTGACCTGCGTCGCATATCCACAATCCGATTGTGTGATCCACACGCACAAGGAAGGTGACTTGTA  
CTAATTTGTTTGCTTGTGTGATTTTGTGAGTTGAATCTGATTAACTTCCATCATGCTACACTTTTCGAGACTA  
GACTTAGTTTTCGAGGTTGAATGTCTATTTTGAAGAATTATGCTCAGTAGTACTGCGAAATTTAAGTTGCTGG  
TTTAACGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_4045 NM\_129357|Arabidopsis thaliana chaperone protein dnaJ-related (AT2G38000)  
mRNA, complete cds

TGACACCATATGTGCAAAATGTGATGGGAAGGGAAACTTCCTTGTGCAACCTGTGGATCTCGTGGCCTAATT  
AAGTGCGAGACTTGCCAACATACCGTTCTCTTTGACTCGGAGTGTTGCCGTGGTTAGATGGAGGACACTTT  
CAACTCGAAAAGTAAGCGCTATGAGCGGAGCAGCATCTGTACCCGACGAAGTGTTCCACAGAGCCAAAGGGG  
TTCAGTTATGCAACACACAAGCCTATCAATGTACACCAGCTTTCTTGCAGATTCCTTCTTCTCAACAAGTTCT  
CTTCCGAAGTCATAGCAGATCGAGCACCTTTCTCTCCACTGCACGTGTCATATGCGAACGACATATCATCTCA  
GTTGTACCTGTGACCCGTGTCACAATGGCTGAGCGTGGTAGGTTTTTCAGTTTCTACATTGTTGGTTTGAGTAA  
GGAAGTTTACTTGAAGGATTACTACCCTTCAAGATTCTGTTGGGGCTATGTCCTTGCTTGGAGTGGTTGAAG  
GTGTAAAGATATAGATAACCACCACATCACATGGGTGGCTACTGCCATTGCCAGTTCATAGATTGTGATGTG  
ATTCTGAATTCTCCTAATGGGGTGGCTTCTTCTTCTTCTTGTGTTGTAAATTTATTTACTTTGGCAAATGTTGC  
CTTCTGTCATGGGTTATCTTTTTGGCCAAACCTTTACTTTTGGCTTTGTGCTTTTCAGAGTGAGTGTGAGAACC  
CTCTCGGTTTTGCTTGTCTCAAAGTTTGGCTTCATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_4046 NM\_001066661|Oryza sativa Japonica Group Os07g0585800 (Os07g0585800)  
mRNA, complete cds

AGCCTTCATTTTCGATAAGTTTTAAAGAAAACAACAGCGTAAAATTAATCTTATTCTCCGTCGTTCCAAGTTCGA  
TCGAGTTGGAAGTGTGTTTGTAAACGGGGGGACGAGGCTGACGGAAACTAGTTTTCGCGTCGAATTTCTTCA  
TCGACCGATGACTAACTCCTTGCAAGCAATCTGGAGCCACGGACGTGCTCTTCGGAGCACAGTGGCTCCTCTT  
TCCAGGTCATTCTCCACCGATTCTTTGGTTCAAGTCAAGCCCGGCGAGATCGGTATGGTTTCTGGAATTCCAGA  
GGAACATCTTACCAGAAGGGTTGTAATTTACTCTCCTGCTAGAACTGCATCCCAACAAGGATCAGGCAAGGTT  
GGCAAGTGGAAAATCAATTTTGTGTCAACACAAAAGTGGGAGAACCCATTGATGGGGTGGACTTCTACTGGG  
GATCCCTATGCCAATGTAGGGGATTCTGCACTGTCTTTTGATAGTGAAGAAGCTGCAAAGGCATTTCGTGAGA  
AACATGGATGGGAATATGTGGTTAAGAAGCGCCACACACCACTTTTGAAGGCGAAGGCGTACGCAGACAATT  
TCAAATGGAAGGGCCCTCCTGCTGAAGCCAAGGAGGCTTAGACCTTGTTTGACACTCCTTTCCTATCTAATTGG  
AGGCTAAACAGACTGGAGGGTTTGCCTAGTCAATTCGTTGCTTATTTTGAGGAAGTTGGTTGTAATAAGTG  
AGAACCGTGGTGTATACTCACTTGACCTTGTAACCTTTGTTCTCTCTTACGTTTACCATCGAATGAAAAATCTC  
AAGAAACAAACGAGC

>trans\_c\_4047 BT005894|Arabidopsis thaliana At2g26470 gene, complete cds

ATTGTTTTTAAGGAGAAGTTCATCGTTGCTTCTTCCACCTTTTGCCTCTCTCCACGTCCAGAACTTTCCGTTT  
AGGCTGAGCTGAGCACCTTCTCCAAGGCAAGGCTTCGCCATAGCCACCCCAACAGTCAAAGCTTCTCAACTC  
CACTCTTCTTCTCCTGTAGAATACTACAAACACTGTAGCAAAGCATAGTAGAGACGGATGTGCGGAAGAGCCC  
GTTGTACTCTTCGAGCTGATGACATCACCAGGGCCTGCCACCGCACCGGCGGTCCCGTACGCTCCCTCAACAT  
GGACCGTTTTCGTCCGCTGTTCAATGCTTCCCCGGGCTCGGATTGCGCGTTGTTGTCGAGATGATGAATCTA  
GTGATGGAGGAGTCGTCCTTCAGTGCATGAAATGGGGGCTTATTCCTAGTTTTACTGAGAAATTCGAGAAACC  
TAATTACTTCAAGATGTTCAATGCTCGCTCAGAGTCCATACATGAAAAGCCCTCTTTTACCCTCTAGTTCCTAA  
AAGAAGGTGCCTCGTGGCAGTGGAAAGGTTCTACGAGTGGAAAAAGGACGGATCAAAAAAGCAGCCGTATT  
ATATTCATTTTAAGGATGGGAAGCCACTTGCTCTTGCTGCTTATATGATTGTTGGGAAAACCTTGAAGGTGAA  
TTACTTTACACTTTCACCATTTCTAACAACCTTCAACATCTCCAGCTTTGAAGTGGCTGCACGATAGGATGCCTGTA  
ATTTTGGGGTGACAAAGAACGTATGGATATGTGGTTGGATGATTCTTCATCGTCCAAGTATGATACCGTCTTTA  
AACCGTACGAGG

>trans\_c\_4048 NM\_119192|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT4G30460) mRNA,  
complete cds

ACATCACAAACCTTTTAAACCCTAAAACCTATAGAAGCTTTAACACAGTCCCACAATTGTTTGATTTTGTTTAAA  
ACAATAATGGCTTCAATCAAGTCCCTTGCTCTTGTTGTTTGCCTTCTACTCTCTTTTCTGTCTTCTTTCTGAAG  
GTCGAGTGGCAAGAAAGGATCTCGGTATTGACCTTGAGGACTCGGAGTTGGACTCGGAGCTGGAATTGGCT  
TAGGCATTGGTGGAAAGTGGAAAGTGGCTCTGGCTCTGGCTCTGGCTCAGGATCAGGATCTGGGTCGAGTTCAT  
CTTCATCATCATACTCTTCGAGCTCAAGCTCGGGGTCTGGAGCTGGGTCTGAAGCTGGTCTTATGCTGGCTCA  
TACGCAGGGTCTCGAGCCGGCTCAGGTTCAAGTGGAAATAGGAATGGAGGGTCTGGGGTATGGTTCGGGATA  
TGGTGGAGGTTCTGGGCAGAGGAGGCAGCAATGGTAATGGTGAAGGATATGGTGAAGGTCATGGCTACGGT  
GAAGGTCATGGATATGGGGGAGGAACTGAAGAGAAAAAAGAAAATCATAAGAGGAAGTATAACAAAAGT  
ATTAGGGTTACGCATAGTTGATTTAGATCATGATCCTAACTTTATGTATTTAAATTTAAATAAAAAGATAAGAGA  
AGATGGAAGCTTTGTTTCGTAGTGTCTGTGTGTTTTCAGTCTGTAAGGATGCTGTGTGTGT  
GATGAATTTTCATGGTATTTCTGCTTTTAGGCAATTTCTGCGTATGTTACTGTTTACTATATATGAATGCAGAG  
TTAGTAGAACTTATATTCT

>trans\_c\_4049 NR\_022355|Arabidopsis thaliana (U12) ncRNA

CAAACCTTAACCCACACTACCATGCAATTTGAAAATAGGAGAAAAATAAGAACTAGCAAGAAGAAAGTTTTCTT  
CGCTTGTCCATTTATATCTGGATTTATATCTGGAATCTGTGATTTGTTTCATCGTTCATCTTTGATTCTTTTCTTTA  
GCTTATACAACCTAGAAATTTAGCCACTAGCTTAGCTTAGCTGGTCTTAAGAACTTGAACCTCCCTTTTAACAGT  
AAGAAATCTTGTCTGAAGTAAACAACACCTCAAATTCTTCTGATTTACAAGAGATCTAACCGATGCGAAATA  
ATAATATATCAAAACCTCTAAGGTGAGTTAAAGTTGTGCAGCAGTGAACAAAGCATTAGCAATAATCCCCC  
TTAAAGTGGAATAAATTGAGAGGTAGTGAGCAATCGCCTAATAGAGAGTAACGCCCAGAATGGTTCCAAAG  
CACCCCTGAATTAAGTTATGGATCAGTTTCCCTACATAGGTAGAGAAACCGAAATGGAACTCGAACTACGAC  
TTTTAACCAAAAATTAGATAGAAGGTTGGTCTTTTCGACAAATCAGAAATAAAATTTAACAACCTGTTATTGCA  
TCTACAAGATACATAATACTATAATAATAATAACCAATAGGGAGAAAGGGCTTTTACTGGAATTGGGGGT  
GGGTAAATTGGGAGGCCAGCACGAAAGAGTTCTGCAAGTAAGCAGCGTCAACAATCGGCCAAGCCTTTAAC  
CCCTCCACAAATTCATGCGCATCACTTTGGTTAGCGCTGCGGCCGGATCCCCCGGCCACTTTGTTTTCTTACT  
CATTAGTTTAA

>trans\_c\_4050 AY060498|Arabidopsis thaliana AT5g48220/MIF21\_11 mRNA, complete cds

AGGGAGGGAGATTTATGTTGCAACCTTCTTCTGGCTCCAAGTCCCAACAGCAAAAACCTCCACAACTTGTTC  
TTTTTCTTATAACTTTCAAATGATTTTGACCTTTTTTTGTTTTGTTTTAAATTTTGGTGTTAATCCCCAATTCT  
CCAATATCTATAAAATCGATTGCTTCACGAAAGCAGGGCTTTCAAATGAGCTCAAGTTTTGGACGACAATGGA  
GGGTCTCGCTTCCCTCACAACAATTCCCAACGTTTCCTTTCAACCCGTCTCCTCCTCCACTCGCAGGTCAAAGTT  
TCTTCCAGACGGTTGAATCTCGGGCCTTCAATGGACTCTTTTTGAGGAATTCATCACTCTTGCCTCTTCTTCT  
TCTTCTTCTTCTTCTCCCATGTCCACTCCCATCCGAGCTCAACAGATAGAGTCAGAGACTGGGTGAGCTGCGGC  
TTCCCCAGTTACTGAATCAGAAGAAAATGCTTTGAAAGTGAAGGAATGGGAAGTGGGGATGTTCCAAGATGA  
AGTGGCAGCAAGTCAAGGCATTAGGATTCGTCGCAGGCCGCCACTGGACCGCCATTGCATTATGTTGGACCC  
TTTCAAGTTTCAAGATGAAAGAGAACTCCTAGGAATATTTTGGAGGAGATCATATGGTACAAGGACA  
AGGAAGTTTCAAGATGAAAGAAAGAAGGCCTCTCTTTCGCTTGAAAAAGGATCTTGAGAGGGCCCTCTCTG  
CTAGAGATTTCTTGGAGCTCTCAAAGCTGCCTACCTTAGAACTAATTTGCCTGGTTTGATCGCTGAAGTGAAA  
AAAGCTTC

>trans\_c\_4051 NM\_127700|Arabidopsis thaliana SULA; binding / catalytic/ coenzyme binding  
(SULA) mRNA, complete cds

TCCTCTTCATTTCCAGTACTTGTAGATCAACATTGTCCATCAAATCCTCCATATCTTAATCATCATTTCTCCCTCTT  
CCCTTCTCTACTTCTTACTCTCTCCGCCGACACATCTCCGACCCCATTAATGGACCTCCCTCCCGCCATTTCTTCT  
TCATGGAGCCGTACTGTCTCCCATTTCTTTCGATTCTTCAACACCTGACAATATGTGGCAACAGGTGTCGAGT  
GTTCTGTGCCATTGATGCTACAAAGATGAAAAATCAGCTCACAGTATCAATAACTGGAGCTACAGGCTTTATT  
GGCCGAAGGCTTGTGCAAAGGCTACATGCAGATAAACACAACATTGAGTTTTAACACGCTCTAAATCTAAGG  
CCAAGTTGATATTTCCGGCTAAGGAGTTTCCAGGAATCATGATTGCAGAGGAGCCGGGGTGGAAAGACTGCA  
TCCAAGGCTCAGATGGAGTTGTTAACTTGGCTGGCATGCCTATAAGTACCAGGTGGTCTTCTGAGATCAAGAA  
AGAGATCAAGCAAAGCAGGATCAGAGTCACCTCAAAGGTTGTAAGCTTAATCAATGACGCACCGGATGCAGC  
TCGCCCTACGGTTTTGGTTAGCGCAACAGCTGTTGGTTACTATTTGGTACTAGTGAAACAGCAACACTCGATGA  
ACGAAGTCCATCCGGAATGACTACTTAGCAGAGGTCTTAGGGAATGGGAAGCAACAGCCCTGGAGTAAAC  
AAGAAGTCAAAGTGGCTATTATCCGTATAGGTGTTGTTCTTGGTAAAGAAAGGGGTGCTTTAATATGAGAGT  
TTGCCCTTATTGT

>trans\_c\_4052 XM\_002309038|Populus trichocarpa HLIP/One helix protein (Lil2), mRNA

>trans\_c\_4053 Novel Gene

>trans\_c\_4054 NM\_001052489|Oryza sativa Japonica Group Os02g0158100 (Os02g0158100)  
mRNA, complete cds

>trans c 4055 XM 002884767|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleic acid binding protein, mRNA

AAAAGAAATTGGGTCTGTGTTCTTGTGGGGATAAGAAGATTTCTCCACACTTCTCTCTCAGTTTCTTGAAGAAC  
AAGAAGAAGTAAGAACCATGGATTCTCTTCAGCTTCTCCCATTGATGCCTTTCCAGATGGGCTCAAAGATAA  
AGTCTCAGTGGTTGACCCCTTTTTGATTGAAGTCCTTCAACCCCTCGACACCGACTAACCATTTCTGCGGATGG  
AACTTGATATTCAAAGGTTCTTGCAAAACCAAGAGCAGCAGGTGTTTGAGTTCCAACACTTCTCTACTTCATAC  
CTTCGACTCGCAGCTCATCGTGTGCTCAACACTATGGTCTGCAGACAATGGTCCAGGATAATGGTATAGATG  
GACAAGGGAGAATTTTGGTGAAGAAAAGTGTGAAGCTAGATTCCCAACCATTTGCTTATCTCAAATACCTGC  
AAAACAATTGGCTGATGATAAACCTGGGCATGTTAAAATTGCTGTTAGGCCGAAGCCGAATAAGTTGTCTGAT  
GATGCAGGTAATTGTATGGCTAAGCAAAGTCATGGTAGGACTGTGGAGCAGAGGAAGGAAGAGTATGATAA  
GGCACGTGCTCGAATATTCAGCAGCCAAAGTAGTGGTTCAGTGGATGTATTGTCCATACTGTCACCGAGGGG  
CTTGGTATACCTCCAAACAGAGATAGGGCGGAAGATTGTAGAGTGAACGATGTTGAGAAGTATATGAGTGGT  
ACAGATGCTGGGAATGGGGCTTCTTCTCGGGTGGCATTTAAGAGATAGGGAAAAGGATCTTAGTGACCCA  
GATTATGATCGGAGTTATGA

>trans\_c\_4056 D10524|Nicotiana tabacum mRNA for glutathione S-transferase, complete cds

AGATATTCTCTATAAACAAACCCAACAAATTCCTCTTCCCCACAAAAACCCCATCTCAATTTCTTCCAATAGCAA  
TGGCCAGTATCAAAGTCCATGGAAGCCCAATTTCCACTGCCACGTCCAGAGTTCTCGCTTGCTTTACGAGAA  
GATCTCGATTATGAGTTCGTTCTTCTGGATATGAAAAACAACGAGCATAAGAAACACCCCTTTCTCTCCATTAA  
TCCGTTTGGTCAAGTTCCTGGGTTTCAAGATGGGGATCTCACCATTTTGAATCAAGGGCCATTACTCAATACT  
TGGCCACGGCCTACGCCAACAAAGGAACCCAGTTGATCCCCAACGACCCAAAGAAAGCGGCGATCGTATCAA  
CGTGGATCGAAGTGGAGGGCCACCATTACGACCCACCTGGGGTGGCTTTGTCGTTTCGAGCATCTAGTCAAGC  
CATTATTTGGCCTCGGCGAAACCGATCCCGCAGCGGTGGCAGAGAATGAAGCCAAGCTGGGGAAAAGTTCTTG  
ACATCTACGAGAATCAGCTTAGCAAAAATAAGTTCTTAGCAGGGGATGAATTCAGTTTGGCGGATTTGCACCA  
CATCCCCAATATCAGCTACTTGTGGCAACACCGTCGAAGAAGCTGTTTCGAGTCACGGCCGCGTGTCAACGCT  
TGGGTGACTGATATCCTTGCAAGGCCTTCGTGGGCTAAGGTAACAGCCTTGCGCAATCAGAGTTAAGAGATTT  
GGTTTCAATATGAACAGGTAGTTTTGTGTTGATGTTGGCTTGTTAATGGTTCTTGGAGTTCCCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4057 AF151216|Nicotiana glauca cell-type guard cell proline-rich protein (GPP1) mRNA,  
complete cds

CTCGTACACCGGTGGCTTCGGCTTGTAACCGGTGGCTTCGGCTTGTAACCGGTGGCTTTGGCTTGTAACCG  
GGTGGCTTTGGCTTGTAACCGGTGGCTTCTGTGGTTTTTTCTTGTAACCTGGTACTGGTGGAGGCTTCTCTTC  
AACCGGTGGAGGCTTCTCTTCAACCGGTGGAGGCTTTTCGTAGACCGGAGGAGGCTTTTCGAGGACGGGGG  
GAGGTACCGAACTTTAGGAGGGAACAAGGGATGGGTATACAAAGGAGGATGAGGAGGGGAAAACAGGTAA  
AGTGAAAGGAGGCAAGGAGGGTGATGATAATAATGATGCCAAAAGAAGGCAGAAACACAAGTTTCACTTT  
TGAATTTGATTCCATTAGGCAAACCAAATGTTTGTTTTCTTTATCTTTGGATTTGATTACAATCATTGAAGCCA  
TTTCTGAGCCATCGTGAGAAGGACAAGGAGTAGAAGAAGCACTGTGAAGTTGTGCAAAGCACTTTCTTTCCA  
AATTTTCATCTTTGTTCAAAACCTCAGTTGGAAGTAAGACTTTGAAGTTTCCTTCTTCATCTAGCTTTGCAACCC  
CTTTTCTTTCTATTGTTCCATAGGGGTGTTTGCAGTCAATGCTAACACTAAGCCCTGAGAAGGCATGGTTGGTT  
TTAATGTTATTCTTGTAAGCAATCTGCACATTCTCAACTCCAACAATTCAACTGTCGTCAAGTCACTGCCATGA  
CAGAAAGTTGAAGCAAAAAGCAAGAAGAAGATCAAGAAACAGGGAGGATTATGCATGAAGAAATTATATAA  
TGAAGAAGGGAATGATGAAT

>trans\_c\_4058 Novel Gene

ATCCGAAAATCAGGACTCTCTTGCCGCTTTTCTCTTCGCCGTCGCCTTCTTCGAGCTTCAAGTCTCCCATCTCTT  
CAGCCATGGCGGACAAAGCAGTCACCATTGCGACCAGAAAGTTCATGACCAACAGGCTTCTCTCCAGGAAGC  
AATTCATCATTGATGTTCTTCACCCTGGCAGACCCAACGTCTCAAAGGCTGAGCTGAAAGAGAAGCTGGCCAG  
AATCTATGATGTGAAAGATCCAAATGCCATCTTTGTTTTCAAATTCAGAACACACTTCGGTGGTGAAAAATCCA  
CTGGGTTTCGGTTTGATCTATGACTCTGTCGAGAATGCAAAGAAGTACGAGCCAAAATACAGGCTAATCAGGA  
ATGGACTCGACACCAAGGTAGAAAAATCAAGAAAGCAAATGAAGGAAAGGAAGAACAGGGCAAAGAAAATC  
CGAGGTGTCAAGAAGACCAAGGCTTCAGATGCAGCTAAGGCAGGAAAGAAGAAATAAATTTGCTGGAATTTT  
GTGCTTATGGGCAATGATAAACTACCGAATTGTGTTTTTCTTTTAGTAGAGTCTCTTTAGCTATCTTCTTACTC  
TTCAATTAAATTATGTTAATCAGTGATTTGGTTGTTGGTGATTAGTGATATGAAAACTTTAGTTCTTTTGCCAGA  
GGACAGAAATTTTGACGTTACATTTCTTCGTTTTCTTTTGATGTTTTGGTTGACACTTCGGCCCATTGAGACT  
GATCGTTGGTAGATTATGATAATTGATAGATGGGGATAATTCCAAGGCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4059 Y12859|L.japonicus gln1, pge1 & krm genes

ACTTCAAACGTGTTTTCAACACGCGACTTCATCTATCGCGTGAATCCGGTTCCTGAACTCCGGCGCAAG  
GGCGCCCAGCTCGTTAAGAGAAAAATAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAAACCTTGGAGGCGCCAC  
GATCTTGTCCAGCTTCCACTTTTACCATTCAAACCTTCACTTCAATTTTTTTCATGAGGTGCACAAATGAGCTCTG  
TCTGGTCAGGTGAAGCCCATTTCTTCTTGTTGTTGCTACAAATTAATATGAGGTGCTGGGTGGATTGAAATT  
CCAAGTATTAGCTTAGGTTGCTGTTTGAATTTGTCAAGTAACTTTCCGAGGCAATTGAAGAGTAACCATCGAA  
GTAGATTGAAGGCAAAGGAATTTGAGAATATCCCACACGAGAAGAAGCTATTTTGGTTTATCACTTGTGATG  
TGGATCATGGAGTCAAATGCGTTATTTAAGGAAGTTGACGTTCTCTGTAATGGTTTTTTTACTATCTGTAAAA  
TGGGAACTCAAGGTCAAACAGGATTAGTAGCACAAAAGAAAAATGCACCCTCCTCAGCCCGGAAGATTTGAAG  
ATCGTGAAGATCTTATTAATATGTTTCGTGATTTTGGTGACATCAGGGATATGTTGTAACGATTAGAAGTCT  
AGGAAAGATAGAAGGGTCATCCTTGGTTGTGATAGAGGAGGTGTGTACCGCAACAGGCGTAAGATTGATCA  
GAGTCCACGCAAAAGGAAAGCTAGCTCACGCCTGATAAATTGCCCATTTGAAGCAATTGGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4060 NM\_120980|Arabidopsis thaliana hydrolase (AT5G09430) mRNA, complete cds

CCCATTAATTCAAACCTCCGGTTCGAGAAGATTCTTTCATGTTCTTCAAATGACAAAGTGTTTATTCTTCAGTAT  
CACAGAGACCAAAATTGGTTCCATCGTTATAGCCTCACAAATCCGACCTCCGATCCACCATTACAGATCTCA  
AAGACGGCACCACAGTTCATTGTTGGGTTCCAAAAAACCCAAATTCGCACCAAACCAATCTCCTTTTAATCCA  
TGGCATTGGAGCCAATGCACTTTGGCAATGGGGTGATTTCAATCCAGCCCTCATACCTTATTTCAATCTCTACAT  
CCCTGATTTGATCTTCTTCGGCGACTCGTTTACCACTCAGCCAGACCGGACCGAGTGTTTTCAAGCTCAGTGTC  
TAATACGAGTCATGGAGGCTCACACGGTGGGTAAATTCAGTTTGGTGGGGCTTAGTTATGGAGGATTTGTTG  
GGTACAGCATCGCGGCACTGCGGCCTGAAATGGTGGAGAGAGTAGTGATTTGTTGTTCTGGGGTTTGTGTGG  
AAGAGAAAGATTTTAAAGATGGGTGTTGAAAGTTTCTGATTTGGAGGAGGCTACAGCCATTTTGGTTCCCA  
AAAGCCAGAGAAGCTTAAACAGCTAGTGGGTATTCTGTTTTTCCGGCCGCCGCGTTGCGTCTGCTGCCGTCT  
TGTTTGCTCAATGATTTCAATGAATCAATGTGTTTAGATCATATCGAGGAAAAGAGAGAGTTGATTCGAACTAT  
TCCCAGAGGAAGAAAGCTTTCAGACCTTCAAAGATTCAACAGCGGACGTTGATAATGTGGGGGAGAACATGA  
TCAAGTATTTCCA

>trans\_c\_4061 NM\_001065929|Oryza sativa Japonica Group Os07g0290800 (Os07g0290800)  
mRNA, complete cds



AGTTTGTTGAAATCTCCCTCTCTCACCTCTCTCTCAGTCTCTCTCTCAACAAAATGAGTTCACGGAATGAC  
CCAATATCTTCTTCTCACTTGCCTCAAGCACTTAGCAGCTTCAAACCACTGCTCTACCCTTCTCACAACC  
TTTCCAACCCTCTCCCCCTTAAACCCCACTTCAATCTACCTTCTCCACCCTTCTAAACCCTAAACCCAACCCTCC  
ACTTCACTCCACAATTTACCCCTCTGATTCCGTTCTTAATAAAAACCCCTTTGGGCTCGCCTTCTGAAACTGC  
CAAAACCCAATTCTCCCGACCTTCTCCCCCTTCTCCTCTCTCCTTGTCAACGGAAGCCATTGAAGAGCGCTTAGC  
TGGTATTCTGTTTATGCTCTTAGCAATGCTTCTGAGGAATTCGTCTTGGTTTCTGGTGCTTCCACTCAAAAATC  
TCTCGGCTTCTTTTGCTTTAAGAAGGACGACGCAGAAACACTTCTTCAACATATTGGAACCATGGATCCTTCAG  
CGCACTACGGCTCCAAAGTGGTGCCTGTTGCTTTGAATAAAGTTTTTCAGCTTCATGTCAATGGGGTGGCCTTC  
AGGTTAATTCCAGAATGCTCTCAGGTGAAAAATGCTCTCACTGAAAGAAAGAAGGCTGGCATTCTGCTGATG  
AATTTCTGGGGTCTGTTTCCAGTCGAAGAGTTTGGTACTGAGGAGCCAGAACAAAGAGCTACCGTCTGC  
CTTTTTAGAAAGGAGGATTGGAGAATTCTCTACAATCAGCATGTCGTGAACAAAATCAAATTAATCCTGCCT  
T

>trans\_c\_4062 AJ005077|Lycopersicon esculentum mRNA for protein kinase TCTR2

TCACGCCTAAAGCACAATGCATTTTTATCATCCAAATCAACTGGAGGGACGGTGAGAAGCTAAGAATGTTGAT  
TTTTACTTAAATGTTTTCTTCAGATTTTACTGTAACTGCAGTACATAACTGGTCTCTCGTTTGCTTCTGTGTGT  
TAGCCTGAGTGGATGGCACCAGAAGTCTTCGGAATGAGCCTTCAAATGAGAAGTGCATGTTTATAGCTTTG  
GAATCATTCTATGGGAACTTGCTACATTGAGACTGCCTTGGAGTGGGATGAATCCTATGCAAGTTGTTGGCGC  
TGTAGGTTCCGTAATCTACGACTCGAAATACCCAAGGAAGTGGATCCACGGTTGCTAGAATAATCAGGGAA  
TGCTGGCAAACCTGATCCAAACCTGCGCCCCTCATTCTCACAATTAGCCAACATTCTGAAGCCACTGCAGCGGCT  
CGTCTGCCACCACATTTCGGACCAGCCAAGTTCGTCACTACTGCAAGAGATCTCTGTAAATTCTACACCTTAGA  
TCGATATGGCTCATTTTTCTCAAGTGTGAATAAGGAACTTCTTTTTGCTTTTTCCCTTGAGTGGGGCTGTATTG  
TATATTTTTGAAATGTAAAAACAAAGTATTTAAAGAAAAGAAAAAGAAAAAAGGTCGTAGAGGTACAT  
AACATGGATAAAAATGTAAACGCTGTTGCTACAAAAAGACGGTAGCTCCATATTTGTTTTGTACAGTCGCCTG  
CTATTGGTTTGTGCTCAAGAAATGAGGCTTGTCTCTTTCACCCTCAATAATGAACATGAAACGAATGGAAC  
TTTTGTTTTG

>trans\_c\_4063 NM\_001053225|Oryza sativa Japonica Group Os02g0321900 (Os02g0321900)  
mRNA, complete cds

ACCAGTCTGTAGCTACTTCCTGGGAAAGACAAAGCTCCGAAAATGAGCAAACCTTCAGAGTGATGCGTTGAGA  
GAAGCCATTTTCATCTATCTTTGCTGATAGCGGTGAAAAGAAGCGCAAATTCAGTACCATTTGAATTCAGA  
TTGGACTGAAGAACTATGATCCACAAAAGGACAAGCGTTTCAGTGGTTCAGTGAAGTTGCCCCATATCCCTCG  
CCCTAAGATGAAGATCTGCATGCTTGGAGATGCTTCACACGTTGAAGAGGCAGAGAAGATTGGTTTGGATTAT  
ATGGATGTTGAAGGTCTGAAGAAGCTAAACAAAACAAGAAGTTGGTGAAGAACTTGCCAAGAAATACCAT  
GCCTTTTTAGCATCTGAAGCTATTATCAAGCAAATCCCCGTCTTCTGGGCCCTGGGCTCAACAAGGCAGGAAA  
GTTCCCTACCCTGGTCACTCACCAAGAATCTCTTGAATCTAAAGTAAATGAGACTAAGGCAATGGTTAAGTTCC  
AATTGAAGAAGGTTCTTTGTATGGGTGTTGCCGTTGGCAATATTGCCATGGAAGAGAAGCAAGTTTTTCAGAA  
CGTTCAAATGAGCGTCAATTCCTTGTTTCTTTGTTGAAAAAGAATTGGCAAATGTGAGGTGCTTGTACCTGA  
AGAGTACAATGGGGAAGGCATATCGAGTCTTCTGAGGAATTTTCATAGCCTAGATAACAGTTCTGTTTGTCTT  
AAATCGAAGAAGTTGAGATAAGATTCTATATTTATGATTGATGAAAAATTTCTGTTTGTTCCTTTTAGCTA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4064 NM\_001069688|Oryza sativa Japonica Group Os09g0411700 (Os09g0411700)  
mRNA, complete cds

AAGTCTAAAGCTAAAGCTTGTGTAGGTATTTTATAGCGAATAGATGGGGAAGGACTCGAAGCCAAAGGACGC  
GGGTGGTAAAGGGAAGGGGAAGGCAAAACAAGGAGGTTCCGGAGCCGATGAAAGCGCTTCCAAAGGAAAG  
GGAAAATCCGGAAGGCTGCTGCCGATGGCCTCGGAAGTGTACTTATGTTAAAGCAAGGCATATACTGTCCG  
AGAAGCAGGGAAAAATCAATGAAGCGTATAAGAAGTTGCAGGACGTTGGCTTAGCAATGGAGACAAAGTT  
CCACCAGCTGAGTTTGCTAAGTTAGCAGCTGAATACTCAGAGTGCCCTTCAGGGAAGAAAGTGGGGACCTT  
GGATGGTTTCCGCGTGGAAGATGGCTGGCCCTTTTCAAGAGGTTGCATTCGCCACACAAGTTGGAGCAACC  
AGTGCACCATTCAAGTCAACGCATGGGTACCATATTATCTTGTGTGAAGGAAGAAAGAATTAGGAAATCTCGC  
ATTCAAGGAAATCTAAATTTGGGTATGCATTGACGATAATAATTTCCAGTACACAACCTTTTTCTTTTAAAG  
CTCTACCAAATACTCGTTCACTATATTGTGATTATTGTTCTTTTATAGGCCATGGAGTGAAGAATAGCAATACC  
CATACATCTTCGTGTGTCTATAGTTGGGTTTGGTGATCTGTTTTACTAATATTTAGTAATAATGGAACCATGCCT  
TGATATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4065 NM\_113263|Arabidopsis thaliana diene lactone hydrolase family protein  
(AT3G23600) mRNA, complete cds

AGTCATAGAGTAAACGAAGGATCCTCAGTGAATACAAAATGTCAGGTCCTCAATGCTGTTCAAACCCACCA  
ACTCTAAACCCAGCAGCGGCGCCGCCATATCGAACAACTCGGCGGCCTTACCACCTACGTCTCCGGCTCCC  
CTGACTCCAAACGCGCTATCCTTTTTATTACCGATGTCTACGGATTTGAAGCTCCACTTGTAAGGAAGCTGGCC  
GATAAGGTTGCAGCTGCTGGGTTCTTTGTGGTTGCTCCTGATTTCTCCATGGAGATCCATTTGTCCAGATGA  
TGCTAATAGGACCATTTCGTTTGGTTACAAGATCATGGACCTGACAAGGGTTTTGATGATGCGAAGCCGGTG  
GTTGAAGCTCTGAAAAACAAAGGTATCTCAGCGATTGGAGCCGAGGCGTTTGCTGGGGTGCCAAGGTTGTG  
GTTGAACTTGCAAAAGTGGAGTTGATTCAGGCTGCTGTGTGCTGCATCCTTCGCTTGCTACTGTGATGACAT  
CAAAGGGGTCAAAGCTCACATTTAATATTGGGAGCGGAGATCGATCAAATATCTCCTCCAGAACTCTTAAAA  
CAATTTGAAGAAATCTTGCTGCAAAAGCCTGAGGTCGACGGGTTCTGTAAGATCTTTTCAAAGGTTTCTCATG  
GGTGGACTGTGAGGTACAATGTGGAAGATGCAGAGGCTATCAAATGTGCAGATGAAGCTCACGAGGACTTG  
TTGGCTTGGTTTACTATGTTAAGTAATTGAATTGGCCATGGTCAATCCCTCTTGCTAGTATCTTTGTGTTGTAAG  
CCACTTTACTCTTTAA

>trans\_c\_4066 Novel Gene

AAACAAAGATCTCAGAGAATGGATCAGTTTTGAAAAGTGTAGATGCCCCAAAGGGCAGCGCAAAACCAGTTA  
CAACAACACCATCAGAGAAGAGAAGTGGTGTAGCAAACGGATACTAAGTGTGCGGGTGGTGGTTTAGCTGTC  
TTCTTCTTCTCCCCCTCCTCCTGCTGCAAGTTAATGGAAGCTTCTTGGTACAAGGAGTTTGTCAAAGTTTT  
GCTGCTTTGGATATATAAAAAAAGGAACAAGCTACTGGCTAGTTTCTCTCCATACTTATTTTGGCTACAATTAT  
GGAATATGTCTTCTTGTGTTTTGCTAGTCTCCAGAATGAATCCACAATACTACTGATGATGATGCTTTTAGAT  
TTTTTACAAAATCAATGGGTGGTGAGAGCTGAGTTAAATGATGACGATGATGAGATGATGATGATGCAGTC  
AGGTCTCAGTTTCATTAGACAACATCTCTCTTTTTGAGTTCTATTATTTAAGTGGGTGGCAATTTTAACAGGGT  
TTTGGTTTCTAGGATTGTAGCTTTTCTTTTCTTTTCTCTCTCTAGTGTTTAGTGGCTTTTTTTTCTCTCC  
TCATATCTATTAAGATCAAGTTCTTTTATCTCCCTCATCCCTCTATTTTCTCATGGTTTTTGTCTGTTTATTTT  
TCTTTTTTACTCTACTTGTTTGGCGATTTCTTTCTTGTAATCTCTAGATCTGATAAAGTTGTGTTTGGTCTGCT  
GTTGCTGCTTCTGTATCAGTAAAGAGCTAGAAGGAAGCAAGTTGGGAAATAGTGCAATATAAAATCCTTTAAT

>trans\_c\_4067 Novel Gene

CCTTCAATGGCAAAAACAAGCAATAAACAGCTTGATTGAAGATGCTATAGTAGAGGCAGATCAAAGGGTTG  
CAAAGTCTTGAGTTTAGGTCTTGAATCAGGGAGAGGAGCTGAACATATATGGAGGGCTTTATGTGCAAAG

GAACCCTAAGCTAAGAGTTAGGGTGGTGGATGGGAGTAGTCTGGCTGTGGCTGTTGTTCTCAATAGTATCCCC  
AAATCTGCCACCCAAGTTCTCTTGAGAGGCCAACTTACAAAAGTGGCTTATGCCCTTTCTTATTCTCTCTGCCAA  
AGAGGCATTACAGGTAGCTGTGTTACATGAGGAAGAATACAGGAACTCAACAAATCATTC AACACTAAATTTG  
AGAGCAGTCCAGTGCTTTCAAAGGCTATTCTCAAACATATGGTTAGTAGGAGATGGACTGACAAACGAAG  
AACAGATGAAGGCACCAAAAGGAACGACTTTTATTCCCTTCTCGCAGTTACCTCCAAGGATTGTACGCAAAGA  
TTGCTTCTACCACTGCACCCCTGCTATGAAGGCTCCTCGTTCTATTGAAAATGTGCATTCTTGCGAGAACTGGTT  
GCCAAGAAGAGTGATGAGTGCATGGCGTATTGCGGGCGTAGTGCACGCAATGGAAGGGTGGACAGAGCAC  
GAGTGTGGCTACACGATGTGGAACATCGATCAAGTCTGGAAAGCAACTCTTCGACACGGTTTTTCAGCCTGTTC  
CCACTCCCCTCCCTGTGGCTCTATGTAATGATCATCTAATTAAATCACCTTAATGTTATGCTTTTTACGCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4068 Novel Gene

ATCTGAACGAACAAAATCAAAAACCCCTTTCTCTCTCTCTCTCGCTCTCTTGTTCATCTCTAAAATCCCACCATT  
ATCAAGAACCTTACAACGTAAAAAAGCACAGATACGAATACCCATTTGCGTTTTTTGTCCAAGAACCACAAAA  
GTGTCCAATATGAAAATAAAGAACAAAGGAAAAGTTCATCCATCTCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCG  
ATGGGAACTTTTTGATGTCTTGAACATCTTCCGGTAGCGATTTTTGCTCTCGTCTCTGTTCTCACTGTCTGATG  
ACCGGGAGGTTTTAGCCTTCATGATGAGGAGATCCATGGAAACCTCATCACCATCTTCTCCGTTTCCGGAAAAG  
AAATTTTCCAAGAGAGTTTCCAAGAAATCCGATACTCCACGCGCCGGCTCTCGTAGCGCGTGTGTTACGCGC  
CGCCTTCTCTTACTTGCTTTGATTGTTACATGAGTTACTGGGACCGATGGAACCTCGTCTCCAAATGGGGAGCTG  
ATTCATCAAGCCATTGAGGCATTTGAGGAGCAATTAACCAAGGGGGAGAAATCCAGCAAGAACGTTAAAGGG  
AAGAGGAAGGACAAAATCGGCCGCCGGTCTCTGGATAAGTCTTTGAATATTGTTCCCAACCGCTTTTGCCGG  
TGCCCGAACTCATCCTCTGCAGATTGATGAAGGTTCTTCTGCCGCTCCGGCAACATCAGGAAGTGCCGCTGT  
GGAAGTAGAGGAGAAGAGCGGAGAGGCGCCGCGGAGTGAAGAGGAGGCGGTGGAGTCAAGGGGAACTTT  
GGTGGTTATCCC

>trans\_c\_4069 Novel Gene

TGATTGCACATGCACTGGGACAGCGAGTTAATTCATTTCCAGAGGATACTAATTGCCATCGCAAAGTGCAAGG  
AGGTGTAGCAAACAATGCATACATTCAAGCAAGAGATTCAAAGTTGCCTAATTCTACTGTGGAATCCATTAAC  
AAAACCATTTTACAGTCGGATCAATGTATGAACTTGAAGAATGAGTCGGATAAGACTTGTAATCCAAACGTGT  
CATTGGCAAGGGGAAGTACTGCTGCCAAAAAACCTGACAAGAGTTCTCCGAAGGCAAGTCATGATGTGCAC  
AATGAGCACTTAAAGAGAGAACATTTAGGAGCTGCAAAGAGGATGTTTTCTCAGGCTTTAGGCAAGCACTGC  
CGAAAGAATGAATCTCTTCAAACCTCGTTGTGGGGAAGCAGATTAAATGGAACAAAGATTCAAATACATCTG  
CAGTAGCTATTGTTTTCTGGCATGATCTCGTCCTACTCACAACCTTTGAGTTGTCAGGATCCCTGGTGCTGCTAAC  
ATAAAGATGAATGGGACTATGTGATGACAAATTTGTCTATGTCGCGTGGCCAATGGTCGTCGACTGTGTCAAT  
GGCGTGATGATCAGGGTTGGATGCAACGCCTATGGCTGCTATCATGTTGCCAATTCAGTTGGCAAATATGAAA  
TCTGACCTTGTGTTCTCTAGCTTATATACTGGGAATTCAATCTGGGCGTCTAAGCAGCACTGTATGAAGAGTTT  
GAACTATATGTTCCGAACCGAGTTGTGAGGAAAGGTTGTGGAATCCTGGGATCTATGTTCACTGATTGAGAC  
ACATAAGTGGGTTGTG

>trans\_c\_4070 AY861386|Vitis vinifera hexose transporter 6 (HT6) mRNA, complete cds

TGATGCATACAAATTACATAACTTTAGACCAAAATTCAACATAGGAAAAGAATTTGGACTTGCTGTCTTCTTCT  
TGTTTCATCGTTTTATAATGCAGCAGCAAGGAGCAGATTTGCTTCCAATCTGGGAAGGAACAGATGGAGTTTCT  
ATAGAGAGTCAAGACTGCCAATTTGCATCATCTCAACTCAATTAATACTACCTTTTCGACGCTTGTCTCGCACC  
GACAGAGAAGAACTCCGCAATGACCTCAAGAGGCATGCCTTTGGTTTCTGGGACTTTCAAGTAGACGAATATC

CATGAAATTATACACACAACGGCATAAATGCCGAAGACACCTGCAAGACCTATTGCACTAAGCATCACAGGCA  
GAGAATATGTTACAATTATATCGCCGGTCCAGAAAACCATTGCACATATTGCAATGCAGAGGCCACGGACCCT  
TGTCGGGAAAAATTTCCGAGCAAAGGATGTTTGAATTGGTCCATATCCCATGACAAAGATGCAAAAAGTAAAC  
GACCACACATATGGTTGAGATTGCTGCATTGACAATGGTGCTCACTGTAATAAGCTCAAACACGACGAGAACG  
AGGAGTGATACTATTAGCACAGGGATGGTAGCGAGTAAGAGCCGCCTACAGAAAACTGTGTTAGCTAGAAT  
TTGATAAGTAAACAGAAATGCATATTTAGTGATAACAAAATGTTGCTAGCGAGTATGCTTGAGGCTCTACGAT  
GGTGAATATTCAACACTTACGTGTTAATAAATAGACAAAATTAACAATTTCATTTTTTTTTGACCCTTTTTTTA  
AAGAAAAATAAAGG

>trans\_c\_4071 XM\_002872307|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PQ-loop repeat family protein,  
mRNA

GGAAGTCCTCGTTTGAGCTAAGGATCCTGTAATGATCATCGTCTTCCCTCCGTCAGCGTTGAAATCTGAAGAAC  
GCGGGCGGAGATGGAGTTTTTTGGAATGGATTTTCACTGTGTTTTCGGATCTCTGAGCCACGGCAAGTCCCCG  
GAGAAAGATTGCTTGCTTCCCTCATCTCTAAGCTCCTCGGCTATTGCATTGTCGCAGCCTCAACCACCGTCAA  
ACTTCTCAGATAATGAAGATCTTGAAACATCAGAGTGTGAGAGGACTTAGTGTTATATCCTTTGAGCTAGAG  
GTCGTGGGTACACTATTGCTCTGGCTATTGTGTCCACAAAGGACTTCCGTTTTCACTTATGGGGAAGTGGC  
ATTTCTCTTGTTCAAGCTATAATTTGGTTGCCGTTATCTACTATTCTCAGCCTATTGGTATGAAAACGTG  
GATCAGGGCGTTACTATATTGTGCTTTAGCACCAACAGTTTTAGCTGGTCAAATTAACCCTGTCTCTTTGAAG  
CTCTATACGCATCTCAACATGCAATTTTTCTTCTCGAGGATCCCACAAATATGGAAGAACTTTTCTAACAAAA  
GTACTGGGGAGCTTAGCTTTTTAACATCCTTAATGAACTTTGGAGGTGCTATGGTAAGGGTTTTACCAGCATC  
CAAGAAAATGCACCAAGCAGCGTTCTTGGGATCGGCTCTTCTATTGNCACGAACGGAACCATTTTGAGTC  
AGATAATTCTATACCAGAAGAGGGATGTAAAGAAAGAGAAGAAAACGGAGTAGAGAATGAAGACCTGCAGC  
TGCGGCTTTG

>trans\_c\_4072 AY445630|Trifolium pratense GTP-binding protein TypA mRNA, complete cds

TTTGAGATATAAGATTCCAAGTGGGGTCTTCTTGATTGAGGAATGCAATTTTAACAGCTTCACGCGGTACTG  
CAATTCTCAGACAATATTTGATTGCTACGGACCCTGGGCTGGTGACATTCACACTCGTGATCAGGGTTACCCG  
GTTGCTTTGAGGAAGGCACGACAATTCTTATGCCCTTGCTAGTTCACAGGAGAGAGGGCAAATGTTTGTC  
GTCCTGGCGTAGATGTTTACAAGGGTCAAATTGTTGGAATTCATCAACGCCCTGGGGACTTAGCCCTTAACGT  
GTGCAAGAAAAAGCTGCAACAAATGTACGCTCCAACAAAGAACAACAGTGGTTTTGGATACCCATTGGA  
TTATAGTTTAGATGACTGCATCGAGTACATCCAAGAAGATGAACTGGTTGAAGTCACTCCCTCGAGCATCCGA  
ATGTGCAAAAATGCAAAAATGGCAAGAAAAACAAGGTAGTTATCCAATACTGCAAACTTCAACGTGCAAAA  
AAACATGGTACGTCAACCAAGCCATATTTCTTGAATTTGTAAGCTTTAGTAGAGCTTCTTAGTCAATACT  
AAATTGTTTAAGCATTATCAAAGCTTCCACCTACAATAGTTCGTAGTATTTGTACATAAGAGAGGAGAAGAC  
ACCAAAGTAGTATACCATCCAAATCCAAAGTGATGATTGATTGGTAGAACTAGAAAGTGAACCACTTCT  
TTTTCCCTTCTAAATGAATATAATTTAAATTTGTTTTATTATTATTATTGTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4073 NM\_105701|Arabidopsis thaliana ENT1,AT (EQUILIBRATIVE NUCLEOTIDE  
TRANSPORTER 1); nucleoside transmembrane transporter/ nucleoside transmembrane transporter,  
> (ENT1,AT) mRNA, complete cds

TCTGCCTCCATATTCTACCAATCCCCTATGGGCAGCTCCGGCGAGAATATCGAACTCCCCTTCTTCTCCTCT  
TCATCTCCCCGATAATAAAATCCCAAAGATTCCTTCAACTTGATCTACATACTTACTTCATTTTAGCGCTCAG  
TTGCCTTCTCCGTGGAACACTTTCATTACAGCCATCGATTACTTTCTCACATATACCCTCATACCCACATCAAT

CGAATCTTCTCCGTCGTTTACATGCCCGTCGTCGTTTCCGCCCTTCTTCCGTCGTTTTCTTTGGCCGGCGCTGT  
GATGTTTGAATCCGAATTAACCTTGGCTTGGGTCTCTATGTGTTTTCTCTGCTTTTGATGCCTCTTTTAGAAGTG  
TTTTACATTAGGGGTCGTGTCGGGTGTTCAACGGATTCTATGTATCCATTGGAGCCGTCGTGTTGTGCGCTGT  
GGGACAGGCTCTTGTTCAAAGCGGCGTCGTTGGATCCGCCGGGAATTGCCGAAGAGATATATGCAAGCTGC  
CGTCTCTGGCTTCGCTGGCTCTGGTGTGTTGGTGTCAATGCTGAGGTTAGTAACAAAAGCACTGTACCCACGA  
GACTCCGAAGGCTTAAGGAGAAGCGCAATTCTCTACTTTAGTGCCGGAATTACGTTCTAGTTGTCTCCTTTGT  
ATGGTACAATTCTACCACCAACATCTAATTGTGAAGCATTACCAAACCTAAAGAATCAAGAGAAACAAAAG  
AAAGGATCTTTATTTGGATCAATAACCAAGTCAACATTCTGGGAAATATATAAAACAATCAGAATCTATGCGTT  
TGGA

>trans\_c\_4074 GU005024|Arabidopsis thaliana ecotype Ws-0 CDKB2-1 5' flanking region genomic  
sequence

ACTACGCGTGGTGTACGATTCAACCTCCCCACTTCACCGCAGCCATTCTCGAAGAAATTCGACAAACTTCCG  
ACGTCTACGGCCATTATCGCTATGTTCTTCTTCCACTCTACTTGCCATTAAAGTTTCTGTTTAGGGATTAGTAAG  
CTCTTTCATTTCTGAATTCTCTTTAAAATTCGATACAAATTACCCAAAGATAGTTTTTCTTGCTTCGAATTTGTTT  
CAACAAATTGAATTTCTTCTTCTTTGGACGATTGGGCATTCCGTTTCTTTCTTTACCAAGAATGTGCTATAT  
GAGCTTGATCAGAAGTAGAATCCATGAGTCTGAAGAGTGATTTCAATTTCACTTTTCTTCGAGCTAATTAGGT  
TATTTGGTTATTTTCTGTGTTTGTCTTGTCTGTGCTTCCTTACTTCTTGTAAAGGGAAAACTTTCGTTCTGAAGT  
TCAATATTTTACATTACATTGCAAGCACCTCGAATATTATCACAGAACAATTGTTTGACTTTAGTCAAATTTGA  
TGCTGCTTCCAGTCTAATTTAGGATACGCTTGAATGGAAGCTAAAGTCTTGGTTGATCTTCAGATTATTGGTA  
CAGTTTTGGAGGATCAAGATTACTTGGAGAAGATAACCAAGTTACAGGGTTACCTCGATGAGGTGAAGAAGA  
TTGTGAGTGAAAGCTGTTCCCAAGAGGTTTTAGAAGTGGCGTTAAACTCCATCTCATCCCTAATTACCATCCTC  
TCCTCCATGTCATCGTCTACCAAACCTCATTCTTCACTTTGATGGGATAAGAAAGTGAATTAGATTGGGGATG

>trans\_c\_4075 XM\_002868931|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L12 family  
protein, mRNA

AATGAATTCAGACAACCGTAGAACCTCGGAGTCGGCGCTTCAATGAAACACGATTCTCTGTGACTTACCAATA  
TCGTCGTCGGTCTCCGCCAGAAACCCTAATATCTCGAAATGCCATCAATTGCCTCCAAACTCCGGCCAAATCT  
TLAGTGAGACTTCTCACTATCGCTCCAAGACCATTGCTAGTTCGGTCCCTCAGCACCGTCGCCGAGGAACGAAC  
CCAGAACTCGAGAGGATCGCCGATGAGTCTCTCGACCTCAATAAAATCGAACGACACGACTATGCCATCCTC  
TTCGGGTATAAAATGGGTTTAAACAAATACGGGCCTGCAGTTTCTGGGCTAAGTGCACCAGGCTCAGCCGCCG  
CCGGATCTGCCGCCGCCGAAACAAAAGAGCTGAGAAAACCTGTTTTGATATAAAGCTCGAGAAATTTGATGC  
GGCAGCGAAGATCAAGATCATAAAGGAGGTAAGAACGTTCACTGATTTGGGTCTGAAAGAGGCTAAGGATTT  
GGTGGAGAAGGTGCCCGTGGTGCTCAAGAAGGGAGTAACAAAAGATCAAGGGAACCCAATTATTGAGAAGC  
TTAAAGAGTTGGGAGCTACAGCGGTATTGGAACGACATTTTTTTCTTCTCTGTCAATTCATACGTTCTTTTGG  
AGTAAAATAATGCTGCCCTTGTTAGAGGACTATCGAAATTTTTTCGAAGTGCCAAGATTATGAAGGTTACAAT  
TCAAAGTCATATGTTGCTTGGGTCGATATTCAAAGTACATTTGGTTTTTCCCTTTGGCATTCTCCCGCGGAT  
TTGCATGAGAATC

>trans\_c\_4076 XM\_001696972|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TCCATCAGCATGGCCCACTGCACATACAAGGCATCCTCCGCCTCGTCTACCTGTACCAGGCACTGGAGTATTCC  
TTCCCCCTCAGGCTCTTCTAGTGCTCCAACACCATCTCCTCAACAGCAGTTGCCAAACTCCAATATTGAGATGG  
GTTCCCTTTCAGAAAAGGAGAATAGGTTGACGAAATCTGATCACAAATTCAGGTACTTTTCCAGGAGAAAAACC  
AGAAGCGAAGACTCAAAGACAAGAATGCAATGGGACTATAGATGGAAGTGGAATGATAAAGTGAAAGAG

GAAGAGCAGCAGCAGCAACAGGAGGAGGAACAAAGTGCCCAAAATGCAGTTTAGACAAGATATTACTTATG  
AAGAGAAGAGAAGAGAAGAGAGAGAGAGTGAGAGAGATAGAGCAGGTAGGCTGCAGAGTTGAATGAGTTA  
TGAAGCAAAATGTAGAGAGCGGCAACATTCAAGATTGATGATTTGCACACTAAAGACATTACTACTACCA  
AAGGAGAACAAGGGGAGTTCTCTTCAAAGTCCTTTAGTTCATTCCTTTTTTTTGGATGTCCTGAAAAATTATTG  
GTTAGATGGGAAGACTGATTCCTAATGGAACTTTGGATCCTATCATCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAA  
AAAAAAAGAAAAAGAAAAAGTGATTTTTGAGATGTTAGAACCAGTTGGGGATTTCTTTGGGTTTAAATAG  
TTGAAAAAAAACAAGACTATATATATATATATGCTAACCCCTTGAGTTATTAGGGACCGCGAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4077 NM\_112285|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase family  
protein (AT3G14270) mRNA, complete cds

AAACACGAACTGGTTATCGGAATCATCGATTTTCATGAGACAATACATGGGACAAGCACCTCGAGACTTGGGTA  
AAGGCTACAGGCATTCTTGGTGGGGCAAAGAACTCATCTCCCACCGTGATCTCCCCAAGGAATACAAGAAG  
AGGTTTCAGGAAAGCAATGACAACCTACTTCCTGATGGTCCCAGACCAATGGTTTCCGCAGTCTATCGTTCCGA  
GCCAGTCTCAATCTGATTTTGGTGAGGAGAACATGCCTGATGGAAAATCTGATGCCGTATCTGTGTCGTAATA  
CGTTGTAGATAGATGTGAGTGAATCTCAGAGTCCAACCTCTTACATTTTGTATTATCTTGAGTAAATTGATT  
TTTTAGGTAGATTCTTTTCCCCCTTTTTCTTTGCTCTATCATTGTTGAAGAGGAAGAGGAGGTGATGAGAATT  
CATTAGGAGGTGTGAAAGAAGGCTGCTAAAGCCATTAAGAAAGGAGGTACAATATTAGTTAACCTCTTGATT  
AAGATATTTGTATAAAATAGGTAGTGTGTAGTTAGATTTACAATGTAAAGCTTCTGTTCCCACATCAGTGTC  
TATTGCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAGAAAAAACATTACCTCCATATGTTGTACTTTACAAGATAAGTTAC  
TTCAGTTCCAACATCAATGAACTAAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAACACAA  
AACCAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAACCAACCTCAAAGGGGGGCCCGGAACCCAATTCAAAAAAAAAAAG  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4078 AB029548|Phaseolus vulgaris pvsbe2 mRNA for starch branching enzyme, complete  
cds

CATCTTGAAGAATCTTTTGGTTTTATGACAGCTGGACACCAATATGTTTCCCGAAAGACGACAGAGATAAAATC  
ATTGTGTACGAGAGGGGGGATTTGGTTTTGTTTTCAACTTCCATTGGAGTAACAGCTATTATGACTACCGAGT  
TGGGTGCCTAAAGCCTGGAATAACAAGATTGTCTTGGACTCAGACGATCCATTGTTGGGGGGGTACAATCG  
GCTTGATCATTCTGCCGAATACTTCACATTTGAGGGTAACTATGATAACAGGCCTCGCTCTTCTCATATACGC  
TCCTTCCAGGACGGCCGTGGTCTATGCTCTTGACACAGATGATTCTGAGCTTGCAAAGGGTGAAACCGAAACC  
GATACCGAGCCTGAAATGGAACGGAACCTGAACTTCATTGGAGTAGAGGTTTATATGCAATAAAGATGGT  
TCGACAATTCTAGTGACACGCAACCGATTCCGAATCTTCTGGGGTGTGGGAGACAATTCTGGTAGGTAAATT  
GGATACACAGCTAACAAGGTAATAACCTTTCTATTCGATGCAACTTGAACCTCATGTCATATGCATAAAGTAAA  
AGAGGAGAACAGAGGATGAGTAGTAGATGTTTTCGCTCTTTTTATTTAATCTTTTAGCATTATATTTATTGGTTT  
TATATTCCAGAGCTGGAACTTCTCTATGTATAGTAGAGAGCGTGAAATAAACTCTTCCAAGTCATGGTT  
AATCTATAAGGAAATACACTATGCACTTCAAGAACTAATCTTGAGGTATTTTCATGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_4079 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

CTCTCCTTCTTTATCTCTCTGGTCTTAAGAATGCTGGTTTTAAGAATGAGTGATTGCCCTTCTCCGACCCTTACTG  
CCCAACCGGAGAGCGGACAGCTAACATAAAGGTGAAATGTCCACTTTGGAGCGTGTGGTCCGCGACCCCTG  
GATACCGAAGGCGTCTTGGGGTGATCTCGTAGTTCCTACGGGGTGAGACGATGGGGTGGTCCATGGATT  
TTCCTTCTTTGCCGCATTCGCTCAAAGGGTTGAAGGGAGATAGTGCATCAAGCTGTTGCAAGGGCCAAC

TTGATCCTCTTCCCCAGGGATCCCAGATGAGGGAACCCTAAGAGAGCCGCCGACTCCAACCTACCGTCCATGTA  
CGATCCATACTAGATCTGACCAACTGCCCATCCTACCTCCTCTACGTTCTTGACAGCCCATCTTTGTCTCAGTAG  
AGTCTTTCAGTGGCATGTTTCGGTCCTCTTCCCCATTACTTAGAAAAAGTGAGCCACCGGTTCAAGGTACAAGAT  
ACTATCATTACCGCCTGGACAATTAGACATCCAACCCGTAATCGCAACGACCCAATTGCAAGAGCGGAGCTCT  
ACCAACTGAGCTATATCCCCCGAGCCAAGTGGGGCCTGCATGAAGGAGTCAGATGCTTCTTCTATTCTTTTAT  
TCTTTTCCTTGGCGTAGCTGGGCCATCCTGGACTTGAACCAGAGACCTCGCCCGTGAAGTAAATCATCGCACCT  
ACGGTCCAACCAATTGGGAGAGAATCAATAGATTCTTTTCGGGAGCGATTATCTTCCGCCCCCAAACGAC  
CTTCTTGATTA

>trans\_c\_4080 X66874|P.vulgaris mRNA for 70 kD heat shock protein

ACCAAAAACCCTAAACCCTTCACAGCGCCCAAATCTATTTCTCTCTTTTCATTTCTCTCTTCTACCAATTGCCTTC  
CGACATGGCCACCGGCGTCTCTCCGTTCTTTCGACGTCGCGATTTAGCCTCCTCCTCCCTTTCTGCTTACCG  
ATCCTTGACAAGTAATGCCAAGCCGTCGTGGGGAACTCTCACCTTAGCCATTCATGGGCGAGTTTGTCCAGG  
CCGTTCAAGTTCAAAACCTGCTGGGAATGATGTAATTGGTGTGACTTGGGTACCACCAATTCTTGCCTTGCTGT  
CATGGAAGGGAAGAATCCAAAAGTTATTGAAAACCTCAGAAGGAGCTAGGACCACACCATCGGTGGTTGCTTT  
CAATCAGAAAGGTGAAGTCTGTAGGAACGCCGGCAAAGAGACAGGCAGTGACTAATCCAACAAATACTGT  
GTTTGAACCAAGCGTCTGATTGGTAGACGCTTTGATGACCCTCAGACGCAGAAGGAAATGAAGATGGTGCC  
ATACAAGATAGTCAAAGCTCAAATGGAGATGCTTGGGTTGAAGCCAATGGACAGCAGTACTCGCCAAGCCA  
GATTGGTGCTTTTGTATTAACAAAGATGAAGGAACTGCTGAGGCGTACCTTGGAAGAGTGTGTCCAAGGC  
CGTGATTACTGTTCCAGCTTACTTTAACGATGCACAGAGACAAGCAACAAAGGATGCTGGCAGGATTGCTGGT  
TTGGAAGTTCTTAGAATTATCAACGAGCCCACTGCTGCTGCACTTTCTTATGGAAATGACAACAAGGAGGGCC  
TTATTGCTGTCTTTG

>trans\_c\_4081 NM\_104839|Arabidopsis thaliana TIM13 (TRANSLOCASE OF THE INNER  
MITOCHONDRIAL MEMBRANE 13); P-P-bond-hydrolysis-driven protein transmembrane transporter  
(TIM13) mRNA, complete cds

ATTGCCATAGACATCGCCGCTGCCCTCTAACACAAAATCAGCTCTACGGCGCAGCGCAAACCAATACTGAA  
AGCGGCTTTGGTTTATAGGGTTTTACAACCACCGAACAATGGATTGTTTTATCCCTTCAAGCGGTTCTTCT  
CCCCAATTTTCTGCCAATGAATTCAGGGATCAGCTCAAGACTCAGCTTGCTCAGGCCTATGCCGAGGAGTTTCT  
TGAGACCTTAAGAGTGAAGTGCTTTGACAAGTGATCACAAGCCAGGGTCAAGCTTAAGTGGAAGTGAGAG  
CAGTTGCATCTCTAGGTGCATGGAGCGTTATATTGAAGCAACCAGCATCGTCAGTAGAGCCCTCTTTAAGACA  
CCACACTAAAAGAACAGGTTTTCTAAGACATTATGAGGTGAGGTATCTTCAGCACCCAACCTACATTATTTT  
TCTCGGTTAGATATTTGTTTTCTGCTCTAAAATCTTCTTGAGGAGACAAGTTTTTGATCTGTTCCCATAGAT  
AATATTGGTATCATGTGCTTTATTTGCTTACATGTGAACCTCGGGTCATTCAAACCTCTCATTTCTGTTATTTAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGGGGAGACCCAAAAGCAGCAAAATGCGATTACAAGAGATGAGAAGATTTCCAATTGGAACCT  
AAACAAGAAAACTCAAATGTTTAAATGGTTGCTTAAATTTGCACCAATACACGCAATAGAAAAGACCAGCT  
GCTAGTATTGGT

>trans\_c\_4082 AL161494|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 6

AATCCAAATCAGAAAGCGAAACAGTTCAGAACTCGAAGAGGAAGAAACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAT  
CATCGAAGAAGATGAGTTTCTCTAACTTTTGGCTTCTTCTTCTCTTCTGCTTCAATCTCATTATCAACCTCCCT  
CATCTCCGATCCAAAACTCTTACCGCTACGATATTCTCAACAGTACGGTTTCCCGTCGGCATTCTTCTAT  
CGGTGCAACCGGCTATGAATTGAACAGAGCCACCGGTGAATTCAGCCTCTACCTGAATCAGAGATGCAAATTC

AAGATCGATTCTATGAACTGGAGTACAAATCTACCGTACAAGGCGTGATTTCCTCAAGGCAGAATCAGGAAAC  
TCAAAGGTGTTTCTGTTAAGATCGTCCTCTTGTGGCTCAGCATCGTGGAAGTCGTTAACGATGGTGACGACCTT  
CAATTTTCTGTTGGGATAGCTTCTGCCAATTTCCCGCTTGACAGTTTCTACGAGTCGCCGCGGTGTGGATGTGG  
ATTTGATTGCGATAATGGCGCTGGGAGCTTGGTTTCGGCTTCTTGAAATTAGGTGAAACTTGTGTTTAATATAA  
TAGATTAGGGAATATTAGGTTTTGAATCGCTTGATTACTTTAACTAGTAATGTCATGTTGCTTTGAACCTACT  
TTATATGCGATTTCCGAGATCGGATTAGCTCAACCATTATATTCTGTTTATGTTCAAATAGAATTGTATCGTTCT  
GTCATTGAATCTGCTTCTGATCGTCGATCATATAATTATGATATGAACAATTCTGCCAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_4083 AY107298|Zea mays PCO091663 mRNA sequence

ACTCCACATTAATCGACATGGTTTTTGGTTAGTAATACCAATAAATTCATTCCCCCATTTCCCTTTTCTTCCTTTTC  
AAAACCATCCATTTCTATTCTTCTTCTCCCCAAAAATGTCTATGCCGATGCTATCTCCCTGTTTCTGATCCTTC  
TCTTCTCTCTCACATTTGCGGCGACCAAATCTACCGCGTTCAACGGAACCAACCCGATGCGGCTGAGATTTGGG  
AAAAATGGGGAGTTTAAGATACTTCAAGTGGCGGATATGCATTATGCTAATGGGAAAGGTACCCCTGTGAG  
GATGTTCTTCCCTATCAGATTTCTTCTGCTCTGACCTCAACACCACCGCCTTTGTTGCGCGGATGATTCTTGCTG  
AGAAACCGGATTTGATTGTTTTTACTGGGGACAATATCTTTGGATTTGATGCAACGGATGCTGCAAAATCATT  
GATGCTGCATTTGCTCCAGCAATTGCTTCCAATATTCTTGGGCTGCTGTTCTGGGAAACCATGACCAAGAATC  
TACTCTTTCTAGGGAAGGAGTAATGAAGCATATAGTTGGGTTGAAAAATACTCTTTCTAAGGTTAATCCTTCAG  
GAGTAAAGACAATCAATGGATTTGGGAACTACAATCTCGAGGTAGGTGGAGTGAAGGGATCTGATTTTGAGA  
ACAAATCTGTTCTAAATCTGATTTTCTTGACAGTGGTGATTACTCCACAGTTCCTGGGATTTTGGCTATGGCT  
GGATTAAACCTTCTCACAGTTTTGGTTTCAGCTTACTTCTGCCAAGCTCAAGAGAGCATACATGAACAAACCAT  
T

>trans\_c\_4084 AJ277744|Fagus sylvatica mRNA for ABA and calcium induced protein phosphatase  
2C (PP2C), (pp2C2 gene)

AAAGCTGAGTTCAATAGAGAACCATTGTATGCAAAGTTTCGAGTTCAGGAACCTTTCAGAACGCCATTTTTGA  
GCTCTGAACCAGCCATTTCTGAGATCCAGTTGAAACCAGATGATCAATTGGTTATATTTGCAACAGATGGTTTG  
TGGGAGCACCTTAGCAATCAGGAAGCGGTTGATATAGTTCATAGCCACAATCAAAGTGGAAGTGCAAGAAGA  
CTGGTCAGAGCTGCACTTCAAGTAGCTGCAAAGAAAAGAGAAATGAGGTACTCAGATTTGAAGAAGATCGGC  
CGTGGCGTTTCGTCGCCATTTCCATGATGACATCACTGTGGTGGTTGATTTCTTGATACAAATCTGCTCTTCAA  
GCTAGCTCCACGAAGAGCATGAGTGTCTCACTTCGAGGCGGTGGACTCAACCGGCTTCCTAACTCTTTATCCCC  
CCTCACTACGCCCCGTGTAGAACCCAGAAACCCCTGATTGAAGGCATTGGTATGGATCATTTGCTGTATTCTCTC  
CCTCCTATGTGAATAGTAAGTAGTTTCCAGTAGAAAGAAAGAGTTGTAGGCCCATCCAACCTATTGTTCTAGAT  
TAAAAGAAGAGTGAACTTAAAAGAAAGGTGGTAGAATCAGATATCTATTAGTGGGTAAATCTTTGTAATGC  
GAAACTCGATGTAACCTCTGCCTGTTCCACCTCCTTTTGGTATAATTTCAAGTCTGTAAGTTCTACACTCAATGTC  
TTAAACTTGTGCCCTTTTCCACTTAGAAAATGCAACCAACTTTTGTAAACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_4085 AF284759|Pisum sativum TatC (tatC) mRNA, complete cds; nuclear gene for  
chloroplast product

GACTAAGGTCCAATAAAATAGATGACTCAGATTTTACAAAGTCCTGATTTTTCGGCATAACGCGAAAAGCCGC  
CATCGATTTTGGATTGAGAAGGTTGAAGAAGAGATGGGAAGCATTAGCGGTTCTCTATCATCGCATTTGCAGC  
TCAGTCATAGCCGTTTCTCTGCTAGAACCTCTCAGTCTCAGCTTACTTCAGTTTGAATTAGCCCAACGTTGAGAA  
GGACAAAGTTGCGACTACCGGTTTTCTGAGCCGTAGAAATTTCAACAGATTCGTGTGTTCTGCTGTGATGA



CGATGTAAGAGAGAAGCAGACGGAGTTGGGTGGTGGAAATGGCTCCACCGTCGTTGAGGATGTGCCAGATA  
TTGCCAAGAATTCAACAAACGGCGCTCCGGATAAAAGTGATATTTATAACTTACTCTATCCCAGTAAAGATCTA  
CTTCCAGATGATAAAGAAATGAGCGTGTTTGATCATCTTGAAGAACTACGTCAGAGGATATTTGTTTCAGTTTT  
GGCTGTTGGAGCTGCAATTATTGGATGCTTCGATTTTCGAAAGATCTCATCTTACTTCTTGAAGCTCCAGTTA  
AGGAACAAGGTGTAAGGTTCTGCAGCTTGGTCTGGGGAGTTTTTCTTTACAACATTAAAGGTATCAGGATA  
CTGTGGCCTTCTCCTTGGAGTCTGTATCCTCTATGAGATTATTGCATTTGTTCTTCCAGGATTGACAAGAAC  
AGAACGACAATTTCTGGCACCTATCGTCCTAGGCTCTTCTATGCAGGAATTGCCTTCTCCTACATAGTGTGAC  
GCCAGCAGCC

>trans\_c\_4086 AB083482 | Mesembryanthemum crystallinum MPC9 mRNA for protein phosphatase  
2C, complete cds

TTTTTCCCATTCTTTGTCGACTCGTCGTTTTCTTCTTTAAACGCTCCTTAAGCTGTCCCCTCTTTTCCTTTTCCTTT  
TCCTTTCAATTCCATTTCCCTTCTATTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCCACCAGGTTCCAG  
TTCAACTTGGGCAGTTGAGCAGCTCTACGGGCATGCGAGGAATGGCTAATTCCTTCCACATCTGTAACCATAG  
CTACTAGATATTGTTTGTTAGTTTTCTTTTTCTTCTTCCATTTTGATCGAAGAGATTGGAGCTGGGCATTCTCA  
GAGCCTACACAATATGGGCTATCTGAATCCGTCTTGTCTTGCTCGAGCCAGATTCATGCTGCTGAGGAGGCA  
CCTGTAAGCGGTGGAGGATTAAGTCAGAATGGGAGGTTGAGTACGGTTATGCTAGCTCTCCAGGGAAGAGA  
TCTTCAATGGAAGATTTTTATGAGACACGAATTGATGGTGTGGAAGGAGAAATAGTTGGTCTATTTGGTGTTT  
TCGATGGTCATGGCGGAGCACGAGCTGCCGAGTATGTTAAGCACAATCTTTTAGTAATTTGATCAGCCATCC  
AAAGTTCATTTGAGACACCAAATCTGCTATAGCTGATGCATACAACCACACAGACACAGAATTTCTGAAGTCG  
GAAAATAATCAAAATAGAGATGCTGGATCAACTGCTTCCACCGCCATCCTAGTTGGTGACCGCTTGCTTGTGCG  
AAACGTTGGTGATTCTAGAGCTGTTATTTGCCGGGGTGGCACTGCCATTGCTGTCTCTCGGGACCATAAGCCT  
GA

>trans\_c\_4087 XM\_002302515 | Populus trichocarpa histone deacetylase complex protein (HCP902),  
mRNA

AGAAGTTGAAACTGAAGAATACTTCGAGAGAAATGGCGGGAGAAGCTGAAGCACCAAGGAGGGCTTATGG  
CGCTCCTCCAAGAGCAACTCATGCTCCTCCTCGTCTCGTTTGGAGCCTGTTGATCGAGAAAAGACTTGTCTT  
TGCTGCTTCGCGTTTTACGAAGATTGGGAGTCATATTTCAATGAAGACTTCGCTGTGAGGGGCAAGGAGCC  
GAGGGATGAGGTTCAAATTTATACCTGGAAAGATGCTACTCTTCGCGAACTAACTGATCTGGTCAAAGAGGTA  
GCTCCAGAAGCCAGGAGGAGAAATGCTAACTTTCTTTGCTTTGTTTATCCCGATAGACATGGTCGGTTTTG  
TATTGAGAGAGGTAGGGAAGACATTCTCGTTTGAAATAGACGATTAGACGATAGCTTGGCTTTGGGAGAAC  
TTGGTTTTGAGATTGGAGATTACTTGGACGTGGCAATCATATAGGGTATGTGGTGCGTTTATATACTAATAATT  
TGCCTATGGTGAAGAACAAAAGAATGAGGATATTAACCTCAATCTTGTAAATGTATATCCATTTAAGAATTGG  
TCGAAAATCCTTTACCTTGTATGTTTTCTTCCCCTGTGCCATATGAGGTAGATCGTGATAGTCATTGTCACGTTT  
CTTTGAGTTACCTTCTTGATGTATTGCATCAGATGAACCGGGCCATATAATAGAGTTTTCTGTTGGGACGATAAT  
GGTGGAACATTTTTAGGCCCTATGGTTTCATTAACATGAGTTTTTCTTACAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4088 AY247269 | Medicago truncatula AKIN gamma mRNA, complete cds

CAAAGACGGTGTCTGAGCTCGGTCTTCCAATGATGTCACCAGCTTCTATTGTCAAGGTCCATTTTCCAGATATC  
CATTCTTCATCACATTTAGCAATTTAGAGATATGATTACTTGCAATCATATTATCTGCTATTCATCATTATCCTT  
TTCTTCAATGTCGTGTTGCTTTGTTGCAGGTGTACGAGGACGAACCGTTTTACAAGCATTCAAATTTATGAGG  
AAGAAGAGGGTTGGAGGTATACCTGTTATTGAAAAGGGTGGTAGGGCAGTAGGCAACATTAGTTTAAGAGA

TATTCATTTCTTGCTCACTGCACCAGAAATCTACCATGATTACAGGTTTGTCAATATTTTGATACGTATTACC  
CTTTGTTGATTTGTAGGTGAAGTTTTCCATTTTCGGTTAAAAATAGACGAAACAGTAATAACTTAGTTACTCTG  
GGCTCTCGTCTTACTTCTGACAGATCGATAACAGCGAGGAACTTCCTAACTGCGGTTAGAGACTACTTAGAGA  
AGCACGAAGAGTCCTCTCCAATGCTAAGCAACATGATTACGTGCAAGAAGGACAAGACAATAAAGGATCTGA  
TTTTGATGCTTGA CTCCAAGAAGATCCATCGTGTGTATGTCGTCGACAATGATGGCAATCTGGAAGGAGCTAT  
CACCTCAGAGACATCATCTCGAGGTTAGTCCACGAACCGCGGGGTTACTTCGGCGATTTCTTCGATGGTGT  
CTGCCATTGCCTCAAAATAGTCGGGTTTGGGGGCAAAATACTTGCCAGCAACAACAACAAGTCCTGATATTGT  
TGTCAAATAC

>trans\_c\_4089 D26392|Cucumis sativus mRNA for monodehydroascorbate reductase, complete cds

TTTTCATTTTTTCGCGTCTTTCTTTTGAAGCACAAGCAAGGGATCTTTTTTACTCACCAATTATGGCGGACAAG  
AGTTTCAAGTATGTGATCGTCGGTGGTGGTGTCTCTGCTGGATATGCAGCGAGGGAGTTTGTGAAATTGGGG  
CTTAAAGCTGGCGAGCTAGCAATTATTTCCAAGGAGGCGGTTGCTCCTTACGAACGCCCTGCTCTTAGTAAGG  
CGTATCTCTTCCCTGAGTCTCTGCTAGACTTCCAGGATTCCATGTCTGTGTTGGAAGTGGAGGAGAGAGACTT  
TTACCAGGGTGGTACAAAGAAAACGGGATTGAATTGATTCTTAGCACGGAGATAGTGAAGGCAGATCTCGCT  
GCGAAGGCTCTCACTACTGCTTGTGGTGCAACCTTCGAGTATCAAAATTTGATCATTGCAACCGGTTCCACTGT  
CATAAAATTGTCAGATTTCCGGTGTAGAAGGAGCTGATGCTAAAAACATCTTTATTTGAGAGAGATTGCCGAT  
GCTGACCAGCTTGTAGAAGCAATTAAATCAAAGAAGAACGGGAAGGCGGTGATTGTTTGGAGGAGGTTACAT  
TGGTCTTGAACCTGGTGCAGCTTTAAAGATCAACGATCTTGATGTTACCATGGTCTACCCCGAACCGTGGTGCA  
TGCCTAGGCTTTTACATCTGGCATAGCTGCTTTCTATGAAGGTTTCTACAAAAACAAAGGAATCAATATAATT  
AAGGGAACAGTAGCAACTGGTTTTACCACAGATTCAAATCGAGAGGTAAAGCAAGTCAAACCTCAAAGATGGC  
AGGACTCTTGATGC

>trans\_c\_4090 BT026101|Arabidopsis thaliana At5g06480 mRNA, complete cds

AATGTATTTTCCATGAATCGTCGCTGAGTTTTCTTCTTCTTCATCTTCACTTCTTTTGTTCAGATCGGCCCTTCC  
AACTCCAATCATCGACGACATCATGGACGGAGGGCGGTGCTTCAATCGCATCATCTTCTTCTTACCCTTCC  
TTCTTCTCTTCCGGTCATCTTTGCTGCCAAATTTGAATATTGCGATAGGAGAGGTAATTATCCTGTGAAGGTC  
GATGAACTCGAAGTATCTCCTGATCCAGTAAAGAGTGGCCAGCCTGCCACGTTTACCGTTTCAGCCTCAACTG  
AGAAGAATCTCTCCGGTGGGAAGTTCGTGGTGCAGGTCTCTTTATTTGGGCTGCATATACATTAGAAAGTCA  
TGATCTTTGTGAAGAGACTTCGTGTCCAATTGCACCTGGAAAATTCTCTTTATCTCACTCCCAAAGCTTACCTCC  
ATTTACCCACCAGGTTTCATATGTCGTTAAATAATATTGAGAGATAGCAAGAACCAACAGTTGACATGCATC  
AGCTTTAAGCTCAAAATTGTTTTCCGGTATGCGGAATCAGCAATTTCTGAAAAATCCTTGGTTGCTGAGAGTTG  
AAAAATGACCAACAATTCAAGTTTAAAGATTTTCATGTTAAGTTTCTCCTCTGTTTTTCACTGCATGGTGTGAAA  
TATTATATACTTCTCCGACAAGGGACTGTTCTACCTTCGTTGGTTCTTTAATGCCTATGAATTGTGTAAGGCT  
TCTGAACAAATGTGAATTCCTCAATATTAAGCTGTTTTCGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_4091 NM\_116926|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein / copper chaperone (CCH)-related (AT4G08570) mRNA, complete cds

ACATAAATTTTGAATTTGTTCAAGAAAGCCATTGGTTTTTTCAATTTTTTCCATCGGCAATCTTCCCATATCCCA  
TTTTTATATAATCTTAGAACAACTCCCAGGTAGAGCACATCTTGTAAGTACTTATTTAGAACTTATAGAAA  
AAGGGAAGTTAATCAAAATGGGAGTTGAAGGCACTTGGGAGTACTTCTCCAATTTGATTAACAAACACAGGA  
AGAAGAAGAAGCAGATGCAAACAGTATCCTTAAAGGTTCTGATGGACTGCGAGGGCTGTGGCCGCAAGATG  
AAGCAAATCATGTCTCGTGTTAAGGGGGCGAAGAAAGTGGATGTGGATGTGAAGCAAATGAAGGTGACAGT

AACCGGTTACATAGAGCCAAAGAAGGTGTTGAAGGCAGCACAAAGCAACAAAGAAGAAGGTGGAGATGTGGC  
CTTATGTTCCAGTTTCATTGGAGCCATATCCATATATATCAGCCTCTTATGACAAGAAGGCTCCTCCAAATATGG  
TTAGGAGTGTTCCAAACACAGCCACCATTACTGAGACTCTTGTCAATGAAAACATGTTGCAATGTTTAGTGAT  
GATAACCCCTACGCTTGTTCTATCATGTAATTCATACTACCTATTTGTTTTCCCTTCATTCTAAAAACGTA  
TACACTTTACATACTGCCCTAACCTACAATATGTCTTGGGGTATTTGTTCACTATTTTAAATTTTGTTCATTG  
GTCATGGTACAAAATGTTTATTTAGTCTTGAATTTTAAACGCAATTCGTTGAAAAAAAAAAAAATAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_4092 NM\_121073|Arabidopsis thaliana polyadenylate-binding protein family protein /  
PABP family protein (AT5G10350) mRNA, complete cds

CGGAGAGAAAGAAAGGAAAGAAACGAAGGGGCGGTGGACGGAGGAGGGAGGAGAAGCCATGGAACACGA  
CGACATCGACATGATTGGCTCCGACACAAACGACGCTGTGGAGTTGGATGACATGAAGAAGCGGTTAAAGGA  
CATGGAAGATGAAGCTGCTGCTCTACGTGAGATGCAGGCCAAGTCGAGAAGGAAATGAGTTCTGTACAAGAT  
CCTGCAAGTGCTGCTGCAAGTCAAGCAAATAGGGAGGAGGTGGATTCACGGTCAGTTTTTGTGGCAATGTT  
GACTACTCATGTACCCCAAGAAGTACAGCAACATTTTCAGTCATGCGGAACTGTAAACAGAATCACTATTC  
GCACTGATAAGTTTGGGCAACCGAAGGGTTATGCATATGTTGAATTTGTTGAGCCAGAAGCTGTTCAAGAGG  
CTCTCCTTCTGAATGAATCGGAACTGCATGGTCGGCAGCTTAAGGTAAGTCCAAAGAGGACAAACATTCCTGG  
GATGAAGCAGTATCGTCCACGTCGATCCAATCCATTTATGGGTGCACGATCCAGGAGTCCATATGTTGCTCCTT  
ATTTCTTCTCACCATATGGATACGGGAAAGTCCCGAGGTTTCAAGATGCCAACGCGTTACGACCCCTACTATTGA  
ATGTTAATTTTGTATTTGGGCATTGTTGAATTAGAGATATCGCACTTAAATGTGTCTGCTGCCCTTTTTTCTTTC  
TTTATGATGGAAATTGATGTTTGGATATAATTTCAAGAGATCTTTCTGTTTAAAAAGAAAGTGTATGAGTAAG  
CACAATGCANGTTTGAT

>trans\_c\_4093 FJ463618|Pisum sativum MLO1 (MLO1) mRNA, complete cds

AATGTGGCTATTTGCTGTTCTTTCATCCTAACTAATAACAAATGGGTGGTATTCATATCTATGGCTGCCTTTCAT  
CTCCTTATTTATAATTCTATTGGTGGGAACAAAGCTCCATGTCAATTATAACTCATATGGGATTGACAATTCAAG  
AAAGGGGTGTCATGTTGTGAAGGGTGTCCGGTCTGTTAGCCTCGGGATGACCTGTTTTGGTTTGGCCGTCCACA  
ACTTATTCTCTCCTGATCCACTTTGTTCTTTATGAATGCATTTAGCTTGCCTTCTTTGCTTGGACCACATAT  
GCATTCACGTGGAGGGGTTGTTTCCATCAGCGAATTGAAGATATTGCCATCAGACTCTCAATGGGGGTTATCA  
TACAAGTTCTCTGCAGTTATGTCACACTCCCACTCTATGCTTTGGTTACTCAGATGGGCTCTAACATGAGACCA  
ACCATTTTCAACGACCGAGTGGCGACGGCATTGAAGAACTGGCACCCTCCGCCAAGAAGAACATGAAGCAG  
CATCGCAACCCAGACAGTACCTCACCATTCTAAGCAGGCCAACAACTCCAACCTACGGCATGTCTCCTATTCA  
CCTTCTGCACAAACATCAGCATGGCAGCACATCTCCAGGCTATCCGATGCCGAACCCGATCGGTGGGAAGAG  
TTACCTCCTTCTCACACCATAATAGAGCCCATGATAATCAAGATCAACAAGAACAATCTGAGACTAGTAGAGA  
ACAGGAGATGACGGTTCAACGACCAAGTTCAAGTGAAACCGGTTCCATAACACGTCCTGCTCGCCCTCATCAG  
GAAATCA

>trans\_c\_4094 AJ519840|Coffea arabica sui1 gene, exons 1-5

ATTAATTTGGTTTGATGGTTAGACCCATTTGCTGATGCAAATGCTGAGGACTCGGGAGCCGGAGCAAAAGAG  
TATGTTTCATGTCCGCATACAGCAACGCAACGGGAGAAAACTCTGACAACTGTTCAAGGATTGAAGAAGGAA  
TTTAGTTATAACAAGATTCTTAAGGACCTGAAGAAGGAATTTTGTGTAATGGCACAGTTGTGCAAGATCCTG  
AGCTAGGCCAGGTCTGTTGTTCTCTCCACCCAAAATTATTTATATTTAGCTCCTCTTTTTTCGTTGATTCGCCA  
AACATTAGAATAAAAGAATTAGTTTCCGATTTTGTATAAAGTGGGGGATTATTGTTAGAACAATTGAGGGTG  
CGAGATTAGTATAATGGCAATGCTGCTCTATCTAGGCAAAAAAGAGTTTAAAGAACCAACTCATGGGAAGTTT

GCTCTGCCAGTCAGTTGGCAGTCAATTGGTTTCTTTCTGCATAAAGCTGCCGACAGGGAGTGTTTTATTATGG  
GTTGTGGTTTGGTTACATATCATGAACAAAAATCTAGATGTTGTTATTGGTATTGTATAGCAGGATATTAGGAC  
TGCTTATATGCACGTGCTTTTCTTTCTTTGTTCCCTTTTCTGGAATATCCAACAATATGCCATTCCGATCAATTAC  
ATCGTTTGTAAACGGTTGTCCTGCAGGTTATACAACCTCAGGGAGACCAAAGAAAGAATGTGTCTACATTCCTT  
GTGCAGGTAATGGTTGACTATAGATTGGTATTTGCAAACTGAAATATTTGTCGGTCATNCGTTTTGATAATA  
TGCTCCTC

>trans\_c\_4095 HM122543|Malus x domestica DOF domain class transcription factor (DOF2) mRNA,  
complete cds

AACTCTCTTTGCTTCTGGTAATAATCACTTCATTTCTTCCATCCCCAACTCCATTTCTTCTTCATCTTGTTGATTTT  
ATCCATGTTTTTCGTCTTTTTCTTCTGAATCATCTCTGCTCAACCAATCCATCTCATTCTTCTTACTTTCTTCCC  
ATAAACTGTGCTTGTCGATGTTGTTTTCTGCTCCCTTTGACTTGCTTATGGTGATTGAACTTTTGGGTTGTTG  
TTTATCTTCTCTTAATCCTCAATTTGTCGTGAAATAGAGTTTCTCTATTAACCATCATTCTGCTCATGCTTTGCT  
CCCGTTTTTCTCCATGGAAATTGTTTCTCTCTATCACCATGCTTTTTCGCTTCTTCTTCATCGCTCCGGTTATCAA  
GAACTTGGGCTTTTCGGCACTTCATCTTCTGCTGATGAATGGGTTTAGGAGTCTTCAATATAGTTCCTCTCTA  
CATCAACAAGCATATTTGGGAAATACTGCTCAATATTATGCTTCTCCTCGATCATCAAAAAACGTGCCAGGGT  
CTCTTGGTGTTATCTTACTCCAAACGAGAATTTATACAACCTTGGCACAACAACCTGTTCACTGGAAAAAGAA  
ACGGTCGATACATTATTGTTAGGGCTGAACCTGCAAAAATGGGGACTCATGAAGCCGGTTATCCATTATCAGT  
AGTACCATTGAACTCTAAAGTCAGAAGAACGTTCTTTTATGCTACTACTGCAATCACTGCAATTTTTCTCTTTAT  
GCTTATGCTGGTGGCGCATCATTTGTGTTATTGATGGATAGATACCGCAAAAAGATTCATTATTC

>trans\_c\_4096 AY070745|Arabidopsis thaliana AT3g01440/T13O15\_8 mRNA, complete cds

AAATTAGAAGCTCTGCTTCTTCTTTTGCTAATTTCTCCGTTTCTCATCTTAGTCTTCCCATCAAATGGCTCGTC  
TTGCAAATTTAAACGGGAAATTCTCCGCCATTCCCAATCTCCCAAAGCTTCAAACATTCAATAAGAACTCAAA  
ATTACTGGGTTTCTCAAGAAACAAACGGATGTTTCTTCTCATCAAACCTCATTGACAAGAAGATTGGCTTTAAC  
CAGCCTTGCTCTGTTGCTCTCTTTGGCAATGCATCCCCGAGATTGCTTTAGCTAACGAGTATTGGCTTGATG  
GCCCTTGCTTGCTTCTGTTGACAACAACATTGCGAATGAGCAAACAGGGACACGATCGTTTCTGAAGAC  
AGGGATATACATAGCTAACATAGGAACAAAAGGAAGAAAATACAGGTTGAAAAAATATGCATTTGATCTTCT  
AGCTATGGCAGATTTGATTGGGAAAGATACTTTGAATTATGTCAGAAAGTATCTTCGACTCAAATCAACCTTCA  
TGTAATATGATTTTGACAAAGTTATCTCGGCAGCAGCAGACGATGAGAAGCAGCCTCTTGTTGATTTAGCGAA  
CAGATTATTTGACAATTTGAAAAGCTTGAAAATGCAGCAAAGCAAAGAATCTGAGTGAACTGAATCCTAC  
TACCAACAAACAACACCGATACTTCAAGAAGTCATGGATAGAATGGCATAAATTGAACAATTTATTGATCAGA  
AGCGTTTGGAGGAACTGCTTGCTTTCCATAATTCTTCTGTGGTGCTTGTCANCATTAGTTTCCATTTTTCCCA  
TGATTTT

>trans\_c\_4097 XM\_002328042|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDT902), mRNA

CAATTCTCTTAATCACATCACCAACTTTTGCCATTTGCGAATTTAATCCTTCGTCTTCGTTGAGATAACAAAAGA  
AAAAAAAAAAAAAGCAAAAAACCTAAACCTTCGACTTCCCACTGATCTCTGCTCTTACCAATGGAGTTTTGGG  
GTGCTGAGGTTAAAGTTGGAGAACCTCTCTTGGTGAGTCCCGGAGAGGAGAAGATACTGCATCTGTGCGAGG  
CCTGTCTTGGAGAGTCCAAGAGCAAAGGAAGTGAACAGGTTTTCTATATGTCAAGGTTGGCAATCAAAAAC  
TGTTCTTGGGACACTATCCTCGGAGAAATCCACAAAGTGTCTTTGACCTGGTGTGTTGATAAAGAATTTGAGC  
TATCTCATAATTGGA AAAATGGAAGCGTGCACTTTACAGGATATACATCTCTCCTTCCAGAAGAGGAGGAATC  
TACTTATACTGATTCTGAAGAGGATTTTCTCTAGCTGTCACTGACAATGGAAAGCCAGAGCCAGAGCCTAAG  
AAAGATGCAAAGCCTGATACTTCCGGAACCAAGAAAAAAGTGCAGATTGTAGAACCAACAAAGTTTCTCTA

ATTCAAATATTAACAGTAAGAAGAATGAAGACAGTTCTGATGAAGATGATGACGAGGACGAGGAGAGCACA  
GATGATGAGAATGAAAATGGAGGTGAAGAAGATGATACCAATGATGACGAANATGAGTCTTCTGGAGTCGA  
TAGCGAAGACTCTGATGAGGACTCGGATGACAGTTTGGGAGAGGACGAGCAGACACCTAAAAGGCTGAAGC  
AAGCAAGAGGAGGCCTTT

>trans\_c\_4098 AY496121|Capsicum annuum elicitor-inducible protein EIG-J7 mRNA, complete cds

ACTCCTCATTCCATAACACAACCATGGCCACCAAATCTACCCTCTTCTTCGCCTTTCTCCTTTCTTCTCTGCCATA  
GCTTTCTCCGATGATCCGGATTGCGTGACACGGTGTATATCAGAACAGGGTCGATCCTGAAAGCAGGGACG  
GACTCGGTGATTACCGCCACACTCTACACGGCTGCCGGGGATGGAATCAGGATTATCGATCTGGAGAAATGG  
GGCGGGATGATGGGACCAGACTACAATACTTCGAGAGGGGCAATCTCGATATTTTCAGCGGAAGAGGTCCA  
TGCCTGAGCGGACCGGTGTGTTTCGTTAAACCTGACCTCGGATGGATCGGGTCCACACCATGGGTGGTACTGC  
AACTATGTGGAGGTGACCACGACAGGGGTTCTAGGTCTGCGATCAACAACTGTTACGGTGGAGCAGTGG  
TTGGCTCTGGATGCGCCGCCGTATAGTCTGACCGCCATCCAGAATAACTGTCCCAGTGGGAGTGAGAGTCGCC  
GGGATTTGATCCGGTCAGGTGGCCCAAATTTGGAATTGAAGCAGGTGGTTTGAATATGATGTATGGAATAAA  
ACTGCTTTATCACAAGGAATGATAACAAATGGGTTTGAATGAACAATCAGAAAAGGAGAAATAACGAAGA  
AAAGACAGCATTTAATCTTAATAATAATGAAAGTTGATGTGCGCAAGGGGGACGTGGAGGGGACTTTGTCCG  
GAAGCGATTTGTCTTCGCATTGATCGAACATGTTTTGTTTTATTAAAGTTAACTTTAGTAAGATATGTGTTGG  
CGGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4099 AY054240|Arabidopsis thaliana AT5g21070/T10F18\_100 mRNA, complete cds

ACTTCGAATTGTTTCCGATGCTGAAATCTTTCATTTTCACTCTCAGATCTGTCTCCGATTCCGTCCCGGCGCCTT  
GAAATCCTACCGGGTTAGCTTTATTTCCGATTCTCTTTTCATCCGGCGCGGATTGTTTCATTCCGGCTCCAAA  
TGGAAGGTTTACTGCAGAAGATCTGTCCACAATCGGAGGAATTGCGACCGTTTCGCTCCTTCATTCTTCATT  
CCCCTCACTGGCTTCCTTTCTCTGTCTGTCGGCCGTGTCCAGAAATGGACTCTCTCCAGGACTCTCCTCGTCACT  
GCTTTTGGAGCAATTTTACATGTGATATCTACTTCACTTCTTGGGAATAACCGCAATCACGATGGCTAATACAATT  
GCTGGTGAAGAACTGTGCACCAGCTGGCTTCTCTTTGCTTATAATTCTTGGAGCTTGTTACGTTTTATTGTTT  
ATGACTGGAAGAGGCAGTCATAGCCACTCCCACAACCAACCTATGGAGAAAATGGCTGTTGCTGGTCTTGTCC  
TCGTACCTGCTTTGTCCCCCTGTGCAACCACTCTTCCAGTGTTTCTTGCTGTTGGAAATTCGTCTTCCATGATGG  
TGCTTGCTATCATTGTGCTGCTATTACGACAATAACTGTGATGACTTCGTTGGTGGCTTTGTCATTCTACGGTG  
CTAGCCAGCTGAAGTTTCACTGGGTGCAACGATATGACAACTTCTCGTAAGTTCGGTCTTGTCGTGGTANG  
TATTCTGACACTCATCTTTCACGACCACGAGCACAACAACATGGACATGGAGGCTCCGTANGAGACACTTTGC

>trans\_c\_4100 Novel Gene

TGAAGCTCCCTACGGTTTATTTCCATTCCACCGACTGTTCTCCCTCCAACTCCTTCTCCGGCGAGCAGAACGCA  
CCAGTAACGAGCGGTGGCGGCGCAGCGTCACATCCCAGCTGGTTTTTCTCTCCAGCCTTCTTTTCAGTCTGT  
AACAATGGGTAGGAAAGCTGGTAGTTTGTATCAACCCAAAGAAGTTGGCAATCTTAGCAAACCTTGCATG  
AAGGAAATGGTATCATTTCTCAATTGCTTATCCCTTAACCAAAAACAACGATGAGAAGTGCACCAGACATAAGG  
AACTTCTAAATACTTGCATGGATGCTCAGGCCAACAGAAACAAGAAACCTTGGGGTAGCATTAAATTACCAGTT  
GCAGAGGCTTAGCAGAGGAAGAAAGTAGTTTGAGATTCTACTGAGAGAGTGTTAATTAGCTCTAGTAACAA  
GAATCAGAGAAAAATCTGCAGGAAATGTTTAAATTTTGAAGTACAAAGCTGTCTACAGAAAATTCTTGAAAA  
TCAATACCCAGGTGCAATTTCTTGACATAATTGTTATCATATTTAGTGCATAACTTAGGTATATTTGGTTGGGAA  
ACTTATTTATTGCCTTCTTTCTTGTTGTCAAATACTCAAGAGCCGTGCTTTTAGCTATCAAGTGATTATGAATCTC  
AACTAGGGTAATAAATATTCTACGGATTTCTTGATGTCAAATGTTGTAGATTATAGTTTATTGTATGACAAATC

CAACATCTGAACTCTCGTGGTTATTAATAAAGGATTTCTCTAACTGTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4101 NM\_119691|Arabidopsis thaliana vestitone reductase-related (AT4G35250) mRNA,  
complete cds

CCCTCGACAGGCACTACACACAAACCAAAAGATTTCATCCATGGCGCTCAGGCTGCCCACGCAACTCGCCACA  
CCTGTCAACCTTCACCGCGACGCCTTCTCCTCCCGCGCTCGTTTGCGCCCTCCGACACTCTTCTCTTCATTTT  
CTTCTTTCGTTTCATCTTCTCCTCCGCTAGGAGATCTTGTGGCTACCTGTAGTTAGATGTACGGCTCAGCAA  
GACCTGTGAATCTAGCGCGGGGACACCGGTAAGACCTACTAGCATTCTAGTGGTTGGTGCCACTGGAACCTT  
GGGTAGGCAGATTGTGAGGCGCGCGTTGGACGAAGGCTACGAGGTTCTGTGTTGTTAGGCCTCGTCCGGC  
TCCTGCTGATTTTCTTCGCGATTGGGGCGCCATAGTCGTCAATGCAGATTTAAGTAAACCAGAACTATCCCTG  
CGACATTGGTCGGGATTCTACTATCATAGATTGTGCTACAGGACGCCCCGAAGAGCCCATTAAGACGGTAG  
ATTGGGAAGGTAAAGTTGCTCTGATACAATGTGCCAAGGCTATGGGAATTCAGAAGTATATTTTCTTCTCCATC  
CATAACTGTGACAAGCATCCTGAAGTTCCACTTATGGAGATCAAGTACTGCACTGAGAAGTTTCTCAAGGACG  
CAGGCTTAAATCACATCATTATTCGTTTATGTGGTTTCATGCAAGGTCTCATAGGGCAGTATGCAGTACCTATT  
TTAGAAGAGAAATCTGTTTGGGGTACAGATGCTCCGACAAGAATTGCCTACATGGACACCCAGGATATAGCC  
AGGTTGACAT

>trans\_c\_4102 NM\_001068058|Oryza sativa Japonica Group Os08g0319900 (Os08g0319900)  
mRNA, complete cds

AGGATGGCGCCATTTGCCGTTGAAACCATGAACCACTCACTGCCACTCCAGCTACTACTATACTCACTACT  
CTTCACAATTTCTCCGCCTCAATTCCTTCCCTTTCCCAACAAATTGAAGCACCGGTGTCCAGCAGCAACGAAAT  
TCTCTTCCCTATCCGTAGAGAGGTTTACGGCAATGGTGAATCTTCGACATCACTACCGATACTCCCCAAAGA  
CCCCGTGTTGGGATTTCAGGAAAATGGGCTCGGCCAGTTTGTCTGGTTGACGAAGACCATGAAGAACGGCT  
CCAAAGCCAATTTCTCCAGTTTAAGCTTCCCAATCATGCCGGCACGCACGTGACGCTCCTGGTCACATGTTT  
GATCATTACTTCTACGCTAGATTCAATGTGATACGCTCGATTGTTGGGAGTGCTCAATGGTCCTGCACTGTTGGT  
GGATGTACCAAGGGACGCAAAATAACAGCTGAAGTTATGAAATCCCTAAATATCCCCAAAGGAATAATACGC  
ATGTTGATCAAAACACTAAATACTGACAAGAAGCTCATGTATAAAAAGAAATATGACACAAGCATATACTGGA  
TTCATGAACGATGGAATAAATGGTTGGTGGAGAATACTGACATCAAATTTATTGGACTTGATTACCTATCGG  
TTGCAGATGATGATGACCTGATTCGGGCTCACCTTGAGCTTCTGCAAATCAGAGAAAACATTCTGGTGGGAAGG  
CCTAAAACTGGACGACATTGAGACTGGATTATATACAGTTCATTGCTTGCCTCTGAAGTTGTTAGGAAAAGAG  
GGATCACCAA

>trans\_c\_4103 AY143942|Arabidopsis thaliana At1g20110/T20H2\_10 mRNA, complete cds

AAACTTCGGGATCCTGATCAATTCATTCCAACAATTCCTTCCATTGAAGCTTCATCGGAACCTTGAATTCCTCAC  
CGTCGACGACCATGCAGAACGGCGATTACGGTACTGCTCCCTATTTCCAATACCCAAATCTTCAAAACCTTTCC  
TTAAATCCAAGCCCTAATCCAGTTCCCACTCCCTCCGATCGCAACTACGCCTCCGCTCCCCCTTCTCCACCAATT  
ATGGTGCTCCGATTACCCTGCTTATTCCCCTAATTATCCTCCTTACTCCCAGAAATCCCGATCCCGTCCCTGCTTC  
TCCCACTGCTCCTCAAGTTTCAGTTTGTGACAGATGCATGGCAGAAGTGACTCAGAGGCTCGCTAATGCCAAA  
GATTTGGCCAGTAAGCCTGCAGGCTTGCATAGCCATGAGGATCTTGCCAAAACTTAAGGACGAAATGGAG  
AGAAACCGAAGGTCATCAGGATCCAAGTCTGATGGATCTGGGAAACGGATGAAGGAAGTTGCATGCCCTACT  
TGTACTGTTCAATTTACAGGTCCAGGTTCCAAGCTCAGGTTCTGAGACGATTGAGTGTGGGGTTTGCCAGCATC  
CATTCCTTGCTAGCGCTCACTGACTCATCCAGAGTTCTTCTAGTAGAAAGTGCTCTCACAGAATGGCTTGCTCA

TTGTGATGATATATTTTATGTGTTTTAAAGTTTTCAAATAATTGGGCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTATTTTA  
TTTGTTTCATGGTTCTCTCTCAAAGGCCTTGAACCTCAATAACTTCATATCAGTTGTGGTTCATACTAATGTTTT

>trans\_c\_4104 HM018600|Vitis vinifera cultivar Xiahei promoter-binding protein SPL9 mRNA,  
complete cds

CAAGGAAAACGTAGTTGTCGCAGGCGTTTGGCTGGTCATAACGAGCGTCGTAGGAAGCCTCCACCTGGGTCA  
CTATTATCCCCTCGTTATGGCCGCTTCTCTCGTCTATTTTTGAAAACAGCAACAGAGTTGGAAGCTTTCTAATG  
GATTTTAGTGCATATCCAAAGCTAGCAGGAAAAGATGTCTGGTTGTCAGGTACGAAAGCATCTGAACGAGTA  
CTGGGAAACCGAAGCATCGGTTCCATCGGGAAATATGTCCACATCCCTGGCAGAGCAACTCTGAGAACAAATC  
AACCTGAACTTCTCTTGCCAGTTTCTGCAGGTGGAACAGTTTTTCTGGTCCTGGTAATCCTTCGGGTGGAGAA  
TGCATTAATTCAGTTACCGACTCATCTTGTGCTCTCTCTTCTGTCAAACGAATCATGGGGTTCCAGAAACCGA  
ACGACGACTGTCGAGGTAAATGCCTTGTTGAATGCTGAAGGTACACTTGTGGCTCAAACAACAACTCATGCCG  
CTACCAATCATTTTCCGACCATGTCGTGGGGTTTCAAGGGGAATGAAGCTCCCCCTAGCAGCTTCTGGACCTG  
ACATCTGATCTGGGTCTCAATCACCAAGTTTCACATGCTCTTACCAGTTCTTCTCTGGTGATGTCCAGTTTCT  
CATCTAGCTAGGAGGCCATATATGGAACCTGGGCATTCGGGTGCCTTCGACTCGACTCAACATCTGCACTGGT  
CACTTTGAAGTGATGCTGACACTTCCAAGTCTTCTAGTTCAAGTGAACCTCACTCTCTTTTATGCTTTGAATAATT  
GGCTTGG

>trans\_c\_4105 XM\_002319681|Populus trichocarpa histone ubiquitination proteins group  
(HUPB902), mRNA

ATGAAAATAGACTGAAGTAGTTCATCTGAATAAACCAAGCAAGCATATCACATAATACGCAAATTACATAACA  
AATCAGTTTTCTTCCCAGATACAATATCGTGCAAACAAACCACTCGACTATCTTTTCTGTTTGCCTCTACAAGCA  
TTTTGTGGCTAATCAGCAGTCCAACCTCTGTTCCACAATCTCACGTACTCTCTGTTGTACTCACGCTTATTCTCGC  
TAAACATCCTAGCTGCTTCAGAATTTGCAGGAGAGTTTGGATTGGGATCGCACAGAAGCGACTGAATAGAAG  
TGAGTATAGCTGCTACATCATAGATTGGGCTCCACTGATTTTGCAGAATGTCCAGGCAAATGCTTCCATCGGCA  
TAAATGTTAGGGTGAAACATTCTAGACACAAAGCGGACTGTTGGTGGCTTATTTGGATAATCTTCTGTGAACT  
GAAGTGTAAGTTTAAACGTACCTCCATCCCAAGGTGTATCATCTGGGCCAAATATAACAGCATTCATAGCAT  
GATATTATTGTCTTGGGGAGCACCCTGATGCCAGCAGGTGGATCTTGCTGCAACCTCTTGAAATCTCTCAGCA  
GTCTCTTCTTGCAGGAGTAGACATCCTCACCGGCTGTAACTAGCGCGGCGAGAGCCTTCACTGATTGTATG  
GATTTAGAACTAAATCAAAGAGAAACCTCGATTACAATTCTCCAGTAGTTAAGGAGAAGGATTGTCGATG  
AGAGACTTCCCCGGTGAACAAAACACGATCAGGGGCAGAAAGAGCGAAGGGGTAATCCAAAGTCTGCTTATA  
TTATTGCATT

>trans\_c\_4106 NM\_102739|Arabidopsis thaliana PDF6 (REFOLDIN 6); unfolded protein binding  
(PDF6) mRNA, complete cds

AGCCCCCTTTGGCGTTAATTCCTACTACTACTGATTCCCATATTTTCCCCCTTTAATAAAATCGACTACGATCA  
ACCTTTCCCAGTCGACGATTCTCAGTCGGAATGAGTTCTACAAGCGCTCTTCGAGAGCTACAGCGCGAGTTGG  
AGGCCAAAGCCAACGATCTCAGCAAGCTACAGAAAGATATTGCGAAAAATCACCAGTGAGGAAGAAGTACA  
CTGTTTCAGCTGGGTGAGAACGAGCTCGTCCTTAAGGAATTGGATTTACTTCAAGACGACACAAATGTATATAA  
ACTGATTGGTCCAGTGCTCGTGAAGCAAGATTTGGCAGAAGCAAATGCAAATGTGCGCAAGAGAATTGAATA  
CATCTCTGCAGAATTGAAACGTCTTGATTACGCCCTTCAAGATTTGGAAGAGAAGCAAAATAGCAACAGAGAT  
GCGATATTGAAGTTACAACAGAGGATACAATCTCTGCAGGCTGGAAAAGCTAAAGCATAACATGTTTTACTGT  
TGTTTTAGCTGTACGTTCTAACTTATGTTATCTTTTTGCAATCTCTTGTATCAGTTAAAGATAAACTCACTC  
AAAAGCTTGACAATACTTAGTTTGATTTTGAAGCTTGACAAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAACTCCAAAAATTTTTGCATTTGTAATTT  
GACAAAACTTGGCATCTTGAAAGGAAAAGTATTGATGATAATTTTCTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4107 BT001004|Arabidopsis thaliana At5g10770/T30N20\_40 mRNA, complete cds

GAACCAGCCTGGTTGCTCCGCCGCAAGAGCTTGCAATTTACGGAATACAATTCGGCGACCAATCTTTCTCTGTTG  
GATACTTCGCCAAAGAAACCCTAACCTTAACCTCCAATGACGTTATAGAAAATTTCTCTTCGGTTGCGGCCAA  
AACAAACCGTGGACTCTTCGGTAGCGCCGCCGGTCTCATTGGCCTTGCCAGGACAAAATCTCCATCGTTAAAC  
AAACCGCACAAAAGTACGGTCAGATCTTCTCTACTGCCTTCCTAAGACCTCCAGTTCCACCGGCTACTTAACC  
TTTGCGGCGGGCGGCGGCGGCGCTCTTAAATACACGCCGATCACAAAAGCACACGGCGTCGCAATTTT  
TACGGCGTAGACATCGTAGGCATAAAGGTTGGCGGAACTCAAATTCGATTTCTTCGTGGTATTCTCGACCTC  
GGGTGCGATCATCGATTCCGGTACGGTTATCACACGGCTGCCGCCGGATGCGTACAGTGCCTTGAAATCAGC  
GTTTCAGAAAGGAATGGCGAGGTATCCGAAGGCGCCGAGCTTTCGATTTTGACACGTGTTACGATTTGAG  
CAAATACTCCACTATACAGATCCCGAAAGTGGGGATTATGTTTAAAGGACAAGAAGAACTCGATTTGGATGGC  
ACCGGAATCATGTACGGAGCATCAACGTCGCAGGTGTGTTTGGCGTTTGCAGGAAATCAAGATCCTAGCACC  
GTCGCCATTATCGGAAATGTGCAACAGAAGACTTTGCAAGTGGTTTACGATGTGGTGGAGGAAAGATTGGG  
TTTGTTACNATGGT

>trans\_c\_4108 Novel Gene

TTGTTGATCTCCGTCATCAATAGACGGAACCGGCGTCCTCTCTTGCTTCAGCATCTCCCTCCACTCGTTGCAC  
CACAGATGGCGAACGTTCCGGGGCAGTTGGTATGGGAAATCGTTAAGAAGAACAGCTCTTCTCGTTAAAG  
AGTTTGGCAGAGGCAATGCCAGTGTTCAATTTAGCAAAGAGCCTAACAACTCTACAGCCTCAACTCCTACAA  
GCATTCCGGGTTGGCAAATCTTAAGACGGTCACCATTCAGCCTGGAGGCAAAGATTTGTCAGTACTGCTCGCG  
ACATCAAAGACAAAGAAGCAGAACAAACCAGCAAATTCGCTCCACAAATCCGTCATGAGGAAGGAATTTCTC  
GCATGGCCAAAGGCTGTGACTAATCAGGTAGCTGACAACTACTACCGCCAGACTTGAAGAATGCTGCCCTTGC  
TAAGCTAAGCGCAGTGACAGGAGCCTCAAGGTCGCCAAATCGGGTGTGAAGAAAGGGAACAGACAGGCTG  
TTAGGACCCGCGGTAGGAAGTGAAACAATCGTTCATAAGGAAATTTCTTCTATCTGAGTTTTATTTTTTAACC  
CTGTTTTCTATTTCTAAGGAGAGACATCTAGAGGGCTTTTCTTTATTTCAAATTTCTGTACCCTACTTGAAA  
ATAGGGATTTTTGACGATTTTGGTTTATATTTGAGCACCTGCCCTTAAGATTTATGTTAATTTCTTGATGCTAA  
AAAAGATTGGTTAAATTATGAAATATTGATACCAAGATATACTCTTGGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_4109 NM\_100092|Arabidopsis thaliana VAD1 (VASCULAR ASSOCIATED DEATH1) (VAD1)  
mRNA, complete cds

ATCACCAACCCAACGATCACTGCTTCTCAAACTCACAAAAGCTGGTTCTAACTTCTACCGGCCCTCTCTGCTA  
TGGCAGCTGCGGCTTCAGCGGCGGCGCCTGAGATAATTGAACTACCTCGACCACGAGACAAGCTCCCAACCA  
ACCTATCTCCAGACTCTGCTTCTTGCTACCCACCCGAATCATCTTCTCCTCAGCTGACCGCATATCCGATACCC  
ACGAGTCTTCTTCTCACCAGACGGTTTTACGAGGACGTCGGAATTCAGTCATCTGCATTATTAAGAAGTGAA  
GAATATCGGCAGTTGTTCCGCCTGCCATTGGATGAAGTCCTTATTGAAGACTTCAATTGCGCTTTCAAGAAAA  
CATACTAATTCAGGGCCACATGTATCTGTTCTGTCGACTATATCTGCTTTTACTCCAACATCTTTGGGTTTGAGAC  
GAAGAAAATAATCCCATTTTCGAGAAATAATAGCTGTACGTAAAGCAAAGACGGCAGGGATTTTCTAATGCC  
ATTGAAATTTGTGACGGGGAGAAAAAGTACTTCTTTCATCTTTCTATCCCGTGATGAGGCCTTTAATCTCAT  
TAATGATGGCTGGTTGCAACATGCTAAAGGTACCGAAGCAACTATGACAAAACAGAAATCGATAAATGAATCT  
AGCAGACAAGAAATTGGCATCCTCGGTGTCGAAAAGGCCAAGGAGCTGGATCCTTCAGATTCTTCTGACAGG



AGTATGGATACTCCTATTCTTAATGTTTCGGTGGTTCAAGCCAACGTTGAAGAGGTAAATGTGCCAACCACGCT  
ACCACT

>trans\_c\_4110 EU372998|Gossypium hirsutum gland development related protein 5-like mRNA,  
complete sequence

ATTTTACCTAAAATCATTGCCAATAAATTATAGAATTAATTCCTCTATCTATTATCGCCGCCGCTTCCTTTCTTC  
GCGCGAGAGAAAAACGGCCTGAAAGATTACATTAGAAATGGAGTCACCAACCAAATCGGAGAGCGTTTGTAGA  
GACCCTAGAGTTGTTGGAGAGGATGATGTTGACGATGATCCGCCGTTGCTGAGCTTTCATGCCCTAGCTGCAC  
TCAAGGAGTTCCTTGCCGAACAAACCCAGCCCTCCACTGAGCCTCACTTGGAAAAATGGAGTTTCCGAGGATTC  
GGAAGTCGCTTTAGTGGCGGAGGATTGGAGGCTGAGTCAATTCTGGTACGACCGCCACACGGCGGAGACAG  
TGGCTGATGAGGTTCTTACGCTATGCCAGAAATTTGATTCTCCTCGGGTCGCTGTATTGCTTGCCCCACTCTCT  
ACACTTATCTGAAGAAAATTGGTCCCAATGTATCTGCACAATTCTTGAGTATGACAAACGCTTTTCCCAACAT  
GGTAGTGAATTCACATTTTATGATTACAATGAACCAGAAGAATTGCCAATGGAATTGAAGCACAATTTTCAGA  
TTGTAGTAGCAGATCCTCCTTACCTGAGCAAAAAATGTTTGGAGAAAGTCGCTCATACAATTCTTTTCTAGCA  
CAACATAGTGAATCTTACCTGCTATTACTAACAGGAGAAGTGCAAGCAGAAAGAGCAGCTGAGCTAATGGGT  
TTCCATCCATGTGGTTTTAGGCCACACCACTCTAGCAAGCTCGGAAACGAGTTCGACTATTACGAACTATAA  
TCCGGGGACG

>trans\_c\_4111 NM\_100905|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR)  
family protein (AT1G10310) mRNA, complete cds

ATGGTGAGTTTGTAAATAAAAAGCTAAGAGAAAAGCAAAAAAGAAAAAGAAAAAAATGATGCAAGAAGA  
AGGTAGGAAGGAAGAAGATGGTAAGAGTTCACCTTGTAATTCTGATCACGGGAGTGAGCAGAGGGTTAGGAC  
GAAGTTTGGGTTTAGAGTTGGCAAAGCTTGGTCATACCATTGTTGGTTGTTCTCGTAATCATGACACTCTTCAT  
TCTCTTCAAACGCAACTCTCTTCTGTCTCCACTAAACAACACTTGCTCCTCAACCTTGATGTGACTTCCAATAGT  
GGTGTTGAAGATCTACTTCAAGCTGTCTTCAAACAAATCTCATTCCCTGATATCCTTGGTACCTTTAAATATTCA  
CATTTCAATAAAAAGGGAGAAAAATTAATAAAGAAAAAGAAAAACTGATTTACAGAGAATATAGTTTTAAATA  
ATTATAGATTTTAAAAAATTCCTAAATAATCTATATATCTACAAGAGATTGTAGGATAAACGTGTCTTTCACG  
ATTAACATGCAGGTAAATTTGATATTTAAATAACTCAATCAACTATTTTAGCCTATCTTTTAAACATCACACCCG  
ATAAAAGAAAATCTAAACAATCTAAACAATCGTGTAACGATTAAATCTAAACAAACGTGTAACGATTAAATCT  
AAACAATCGTGTAATGCTGATAATAGCCAAATCTAAATAATCATATTTTGTATTTTCGACTTTGAATCGGATCAT  
TATTCATTTATTTTTTTGATTATACTTAATAATATGTATGAATATTCTATCTGTTTAGTGAACAATGCTGGTATAG  
CGAA

>trans\_c\_4112 BT004776|Arabidopsis thaliana At4g01650 gene, complete cds

TTTAAATAAGAATTCCTAAACCAATGTGAGTGTGGAAGGAGTGGGTGAGAGTTGAGTTGAGACTAAGGATTC  
GAGGAAACCAAATTTCCACTTCACACATTGATCCTTACGACGCGATGCGTTCCTTTCTCAATTCCTCAGAACCA  
ACGTATTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCACTAACTTCCTCCTCATTTCCCGTTTATCTTCAACTTCTCCGGCCACC  
TCCTCCGCCGCCCTTGCCGTCGTACCTACTTTAGAGTCCATCCTTCTTTCACGTCTCGCCATCCTCGCCACCA  
AATCAACAACATATCCCTTCTCATATTCTTCTACTACTTATCCTCCCAAACATTTTCGTTCTAGGTTCAGAAATTA  
CTATTCCAATTCCGAGCCTACGTTCTCAGATAGTGACGAAAATGGCGATTACTCTGACGTCTCAGATTCTGAAA  
CGATTTTGTACGACGGTGGTGGCTTATGTATCCAAATCGAGAAGTTGGGTACCAACTCTCGGAGAATTTACTC  
GAGGATTGGTATTGATGCTCCACCCAGGCGGTGTGGAATATCTTGACTGATTATGAAAGATTGGCTGATTTT  
ATACCTGGACTCGCTATCAGCCAAATACTTTTAAAGATTGGCAACCATGCTCGACTCTTTCAGGTTGGGGAGCA

AAACTTGGCCTTTGGTTTCAAATTTAATGCTAAAGGAACCATTGATTGTTATGAGAACGATCTCGAAAGACTTC  
CTTTCGGTAAAAGACGAGTTATCAAGTTCAAGATGATTGAAGGTGACTTTTGAAGGGGGAATGGTC

>trans\_c\_4113 NM\_148455|Arabidopsis thaliana ATPP2-A10 (PHLOEM PROTEIN 2-A10) (ATPP2-A10) mRNA, complete cds

CCGAGCTCGGTAGTGTGAGCTTGTAACTCAAACGGGGGCATTAATGTGGGGGGAGGGTGAGAAATAAAGAG  
TTTTACCTTGGTTGGAACAGAAGAAAGAAACAAAACAATCCACAAACAATGCCTGTAGAAAAGACTCCAACTG  
AGAATGATGAATTGAAGACCGATGAATCGAAGACTGTAACAATATCACTACGAGACCTGAAAATAGCATGGG  
GATCTGATGACACTCAGTGGAAAATTGGGAATCCAAACGATGAGAAAAGAGTGCTATGCAGAAGCAATCAACG  
TGACATGGCTTGAAGTAAAAGCAATATATAGGGGGGCAAAACCAGGGAGCAAATATAAGATTGGGTTCAAG  
ATCAGCCTAACTTCTGAACCGGTTGGTTGGGATAGCAGTCCAGTGTTTCATGATGGCTAAGGTTGGAGAATCAG  
GATCCTACATTTGGAAGAGGCTTTATTTGACATCAACAACGCCGGGAAGCCGCCTACCGACTTTCCCAGCAA  
CTTCTCGATCAGTGTTCCAGTCTCAGCCCAGGACACCACCTGTTCTTTGGCCTTTACGAAATTTGGGGTGGCA  
GATGGAAGAAAGGCTTGCGCATTCATCATGCCTTTGTTACCAAAATTTGATCCACCTCCTCTCTTTCTTAATTAC  
ACTATATATAAACTTCACACTACTCTCTATTTCTCTATGTGTGACACCACTGTTTTCTTTTTCTTTCCCTCTTTGA  
ACATTGCAGTTGTATGTTCCCATCTAAATAATCCATACAATCTCATTTAACTTCACTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4114 NM\_001059241|Oryza sativa Japonica Group Os04g0404900 (Os04g0404900)  
mRNA, complete cds

TTCTCAAAGATATTTTCTGTGAAATGTGGCACACGTGGTGACACTGGACCTGCCTGCAATGCTGTGGGAATG  
ATAGATCGTAAGATATTTGGTATCCAACATCTGTACAAAAGACCTATTTATGCGCGGACTGAGCAATGTAGCA  
TTAATGCACCAGACTATGGCCCATTCCTCCTGATGCTCCTTCTTGGTGCCAAGCTCCTTTTGATCCCGAAGGA  
CTTTTAAGTACAGTGATGGCTGTTGTTACCTGCTTGGTTGGCTTACATTATGGACATATCATTGTACATTTCAA  
GATCACCGAGACCGAATGCTTCATTGGATTATACCTTCTTCTGTCTAATTGTATTGGCCATTGGCCTGGACTTC  
TTAGGGATGCATATAAACAAGGTTCTTTATACAGTTAGTTACATGAGTGTCACTGCTGGTGCAGCTGGACTTCT  
CTTTACCGGGATATACTTGATGGTTGATGTGTACAGTTGGAGACGCATGAATGTGGTGATGGAGTGGATGGG  
AAAGCATGCATTGGTGATATACGTTCTCGCCGCCTGCAACGTTCTGCCTGTGATTCTCCAAGGCTTCTATTTGG  
GTCAGCCTCAGAACAACATTCTGAGGCTAATTGGGGTTCCATCATGAAGGGGACTCATCCTTTGGATATATAG  
GCTAGACCACATAGCTCGTCATGATGTCGATTGGTGGTTGATTGATATTTCTATTAAGAGGAAGGAACAA  
TAAAATAGAGAGGTATATGGTCGCTTCATGTGGTCAATCAAGCACTCTGCTCGGCTCGTATCTAATAGAAAAG  
ATTAGTTT

>trans\_c\_4115 XM\_002872185|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata D111/G-patch domain-containing  
protein, mRNA

ACAAACTGGCAATGGAGTTTGAAGCTCATCTCAGCTCATATGATCGTAATCATAGAAAGCGTTTTAAAGAAAT  
GAGAGAAATGCATGGTTCAAGCAGCCGGGATGACAGAAACAAGCGGGAACAGCAACGTGAAGAGAGAGAG  
ATGGCCAAATTTGCTCAAATTGCAGATGCCCGGAAGAAGCAGCAGCAGTTGTTGGAGCAACAAGAAAGAGCA  
GCCGAGGCTCCTGTTCTACTGAACTTAGAAATGCTACATCAGTTGCAGATCAGGATCAGCGGAAAACATTGA  
AATTTGGATTCTCTTCTAAAGGTGGCACCTCAAAGAACATGTTTGGTGGAGCCAAAAAAAAAACCGAAAGTAG  
CACCTGTAGCTTCTGTTTTTGGGAATGATAGCGATGACGAATAGAAAAACCGTTCCTAAGTTGCATTTTGTATC  
AGCATTTTGAAGTTGTATCTTCAAGGAACACCTTCTACCTTCCGTAGAGTTCTTGTAATCTCATTCCAGTGGAT  
ATTCTTGTTTAACTTGTTGATACTCGCTCTATTAGACTGATGTGTCTATCTTATTTGAAGCCGAGTGAGTTAGT  
CTGATGAAGATATCCATACAAATATCATACCCCAGACAATATCCTTATACAACTTGTAGTTGTGATATTTTCTG

TTATTATAAGTACATCATGCAAATGAGACTGGATAATATTGTAATCTAAGACCGTTGTCAAAGTTTATCATGTC  
ACCAGTCTTCTGAATACGTATTTTATACTGGTATGGATTGATTGCTATTTTTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_4116 AJ296275|Arabidopsis thaliana partial mRNA for DEAD-box RNA Helicase (hel gene)

AGAACAAGACGCCGGATGCTGCTTTCTTGAATAAGAAAGATGCCCTCTTGCAGATTGAAGAAGGAACTCCAAT  
CTCGAAAACTATTGTTTTCTGTAACAAGATTGACACATGTAGAAAAGTTGAAAATGCATTGCAGCGTTTTGATA  
AAAAAGGTAACCGCTTGCAAGTTTTTCCATTTATGCTGCCCTAGCAAGAGAGTCACGGCTAGCAAATATTGA  
GGCATTTACCAATTCTCATTCTAACCAAGTATCCAAGTTCTTGGTTGCACTGATAGGGCATCACGTGGAATTG  
ATTTTCAAATGTGGATCACGTCATACTCTTGACTTCCCTCGTGATCCTAGCAAGTATGTTACCGTGTTGGGA  
GAACTGCCACAGGAGCTACAGGAAAAGGAAAAGCATTATCTTTGTGGTCGGAAAGCACGTGCCCCCTTGCAC  
GGAGGATAATTGAAAGAAACAGGAAAGGCCACCCATTGCATGATGTGACATCTGCTTATGAGCTTACGTACT  
AAATAATGACTTGCCAGAAGAAAGCAGCTGATGACATTACTGGAAGAATTAGTTGAATTAACAAGATGGACA  
CTGAACTTCAATGGAATGCAGTTGTTCCCTGCCATTGATAATGAGGTTTTTCCCTCTCAATCTCTCTCATA  
CTAATCTCTCTGAATGTGTTTAAGTGTTTAGCAAATGCATTATTAATTTCTGTTATAGCCAGCTTAGTCGTA  
TTTCAGCCGATGGATTGTTCTAACTGATTGTTACAAGTAATTCATTCTACTCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_4117 M91374|Cucumis sativus peroxidase mRNA, complete cds

ATCACCAAACAAGATGGGATCTTTCACCTTCTTCTTTCTTTGTGTGATTTTGTTGTAACTCTTACGCCCAA  
CTCACTGAGAATTTCTACGAACAACTTGCCCTCGTTTACCTAACATTGTCCGTCGTGAAGTCAAAAAAGCTAT  
CGAACTGACATCCGCGCCGGTGCTAACTCATTGCTTCCATTTCCACGATTGTTTCGTCCAAGGGTGCGATG  
GGTCTGTTTTGCTAGAGGATCCTCCTGGCTTCGAGTCCGAGCTCAACGGACTTGGAATTTAGGAATCCAAGG  
ACTCGAGATTGTGACGCTATCAAAGCAGCCGTCGAGAGAGAATGCCCTGGCGTTGTCTCCTGTGCCGACATC  
CTAGCTCAAGCCTCTAAAGACTCCGTCGACGTGCAAGGAGGCCAGTTGGAGAGTTTTATACGGAAGAAGA  
GATAGCAGAACAGCCAATAAAACAGGGGCTGATGAACTCCCAAGCCCCCTCGAAGATCTTCCCCCTCTCCAAA  
AGAAATTCCGAGATGTTGGGTTGAATTCAACCGATCTTGTTGCTCTATCAGGGGCACATACGTTGCGGCGGT  
CAGATGCTTGTCTTCACTGGTCGTTTCTCAACTTCAGTGGCAGTGGGCAGCCAGATCCGACGCTGGATCCA  
ACGTACAGGCAAGAAGCTTGAAGAGCTTGTACAGGCCAGAAACACGAGTAAATTTGATCCAACAACACCG  
GATACATTTGATAAAAATTACTATACCAATCTTCTAGCCACTAAATGTAGTGGCACTCTATCAACCTTTCTGGG  
GGAACACCC

>trans\_c\_4118 BT020188|Arabidopsis thaliana At5g44210 mRNA, complete cds

ATTCCCGGAACTTCTTCGTTTTTGTGTTTTTCTTTCTAGTACACGTGTATTAATTTACATGGAGAGAAT  
TAAAAAAGAAAATTCATGGACATGGATAATCAAAACCTAAGCGGAGTCCGGTGGAGGGAAATTGAGATCG  
AGATCTAGAGCGGGTCTTGATTTGTGGTCATATTTGGTTCAGATTAATAACAGAGGATGAATCTGAGTCAC  
TTTGAATCCGCCGCACTGGACCACCGCCTTACACGGTGCCGATCGTAAATCACACCGGATTCCGTTCCGTTT  
CGGAAAATGGGATGATCCAAGAACCGAAATTGATTGGATTGCTGAGGGAAAATCCCTCCTCCGAATTGATGC  
TGTTGGGAAGGAAACGGCGGCCTAGATCCAGAGGCATCCTGATTAAGGTCAAATCAGTGGGGTCCCGGCTG  
GAAGATTCGACGGTACTACTCCGGCTAGGACTCAGATTAAGATCGTTGACGGTAGGCGGAAGGGGAAAATTA  
GTTTTAGCCTTGCGCCACGGAATTTGCGTGCGGCGGCGTCGTAAGCCCTCGCCACTTCTCCGCCGTGTCAA  
ATGTGCCTAACACACACGGCTTTTCTCGCCGATCTCTAATCTCCGCCGCGCATCTCCCCATGGCCTCTTCC  
TCACCCCTCTAAATGCACCTCCATGTCCTTAGACCCGGACGACGCCGTACCGCCGCCGAAGCCGCCTTAACC

TTGTCTCTCGGCGCCATAGTAAATTATTGTGAGTATTGGGAGAAAACGGTAATGCGATGGATTGATTGTATGT  
TGATTATAGAG

>trans\_c\_4119 DQ975456|Capsicum annuum 26S proteasome subunit RPN7 mRNA, complete cds

ACTTCTTCCTTGGTGCCTCCTCCTGCAAGAAAGGCATCGCAGAAACGAAGCTCAAATTCCTTACTCACCGAGTC  
CTCTCATTTCTCAGCCGCCATGGAAGGCCAAGAAGGAACTCAGCAGCCTCATCTCGTTCCTTGCTCACAAGCTTT  
TCCTTCTAATTCATCCCGATGTTCAAGATATCGAGAAGGTCCGTCTCACGGAGGAAGTATTGGCTCCGTTAAA  
GCAGATGACATGTCTCCGTTATACGAAACCCTAACGGGAAGTTCGCTGTTGGAGTTGGATCGGAGTGTGTTG  
GACTCGATGCGTGCGAAGAACGAGGAGGAGCTGAAGAAGCTGGACGAGAAGATTGCTGACGCTGAAGAAA  
ACTTAGGTGAAAGTGAAGTTCGAGAAGCTCATCTGGCCAAATCTCTTTTTTTCATTTCGTATTGGTGATAAGGAC  
AGAGCACTGGAGCAACTCAAGGTAAGTGAAGAGCAAAACAGTTGCAGTTGGACTAAAGATGGATTGTTTTC  
CATACATTACAGCTTGGAATTTTCTATATGGATTCGATCTGATCTCCAAAAGTATTGACAAAGCGAAAACTT  
GTTTGAAGAAGGTGGTGATTGGGAAAGAAAGAATCGTCTGAAGGTGTATGAAGGCTGTACTGCATGTCCAC  
TCGAAACTTCAAGAAAGCAGCCAACCTGTTTTTGGATCCATCTCAACATTCACAACATACGAACCTTTTTCTTA  
TGACACATTCATATTTTATACTGTTCTCACAAGCATTATATCATTGGGATAGAGTGTCTCTAAAGCAAAAGGTA  
GTTGATGCTCC

>trans\_c\_4120 NM\_123761|Arabidopsis thaliana HOT5 (sensitive to hot temperatures 5); S-  
(hydroxymethyl)glutathione dehydrogenase/ S-nitrosoglutathione reductase (HOT5) mRNA,  
complete cds

ACGACAAACCAATTCAGCAAGTCATCGTTGATCTCACTGATGGTGGTGTGCGACTACAGTTTTGAGTGCATAGG  
GAATGTCAACGTGATGAGGTCTGCTCTGGAATGCTGCCACAAGGGCTGGGGCCAATCCGTCATTGTTGGGGT  
TGCAGCATCTGGCCAGGAAATATCCACAAGGCCTTCCAGTTAGTGACTGGTCGCGTCTGGAAAGGAACAGCT  
TTTGGTGGTTTCAAAAGTCGTTCTCAAGTGCCTTGGCTTGTGAAAAGTACTTGAAGAAGGAAATTAAGTTG  
ATGAATACATAACCCACAATTTGACGCTGGAAGAGATCAACAAAGCCTTTGATCTGATGCATGGAGGTGATTG  
CCTTCGCTGCGTTCTTTCCGCCATCCCTAAGCTCGAGTATGAACCCTATCCCTTCTTCTTCATTATGGAAGCTC  
CTAAAAATAAAGCCGTTTTGAAATCTATGTGATATTTTATAGGACCATATATGTAATGGTTTAGCTTCACGCT  
GAAATTTGATAATGTTCTCTATGGTTCTAAACAATGTTGACATTTGAGTTAGGATGGTTTTAATGTCTTGAATC  
ATTTCACTGAAAGCCTACATAATATTAGTCTAGAGATCTTGGTGAATCCTTGAAGTTCTATGATTCTCTTAATGC  
TAGAAATTAGTTCCTCCATCACTTTTCTTTTAAAGAACTTCATTCTCACATGTGGAAAGGGTGGGCCAAGA  
TTGTAAGTATCACCAACAACTGATATTGGATGCTTTTTCTTTTTCGGTAACTTCAAATACATTTAAAGATGTT  
GGTC

>trans\_c\_4121 AY326307|Cucurbita maxima gibberellic acid insensitive phloem B (GAIP-B) mRNA,  
complete cds

ATTCAATCATTTTCAAGATGCCGGTTCACACCATTTTTCTTTTCTAAGTTTTTGATTCTCTTCCCTTCTCTTG  
TTCATCCCATTTTCTACCACTCTCTACCACCTTAGACAACCCAATTTCTTTTCCGCCGTTGTTGTGAATCAAG  
ATGAAGAGGGAGCATCACCATCTTCATCCACGTCCGGAGCCCCCTTCATGGCTGCCGTCCCTAATGGGGAGA  
GTTTTTTGAACACCGGTAAGGCTAAGCTCTGGGAAGAGGAAGCCAGCTCGATGGAGGAATGGATGAGCTTC  
TTGCTGTTTTGGGTTATAAGGTTAAGTCCTCGGACATGGCGGATGTTGCTCAGAAGCTTGAACAACCTGAAGA  
AGCTATGTGTCAAGTTCAGGATACTGGACTTTCTCATCTTGCTTTTGATACTGTCCATTATAATCCCTCTGATCT  
GTCTACTTGGCTTGAAAGTATGCTCACGGAGCTTCATCCGATGCCTAATTTTGCAACGCCACCACTCCTTCGC  
AGCTGGATGATTCTTCTTTTCTAGCTCCGGCGGAATCCTCCACCATCACTTCCATTGATTACGACCCTCAACGGC  
AAACTAGCAGCCGGATTTTCGAGGAATCTTCGAGTTCTGATTACGACCTTAAAGCTATCACGAGCAGTGCGAT

TTATTCACCGAGAGAGAATAAACGTTTGAAATCTTCCGAGTCGGACTCAGATGTGTTCTCTACCTCGGCGATTG  
GGGCTTCTGATTCTGTAACCTCGTCCTGTCGTCCTCGGCTAATCGCAGGAGAACGGAATTCAACTGGTTCATGC  
G

>trans\_c\_4122 Novel Gene

TGATCACACTGCAGATATTCCAATGTCAGAAGTGATCTCTGATGAGTTCGCCTTTGGAAGCAATGCAGCAGGT  
CTAGTGAAGCCATGGGAAGGAGAAATAATTCATGAGGAATGTGGTTCAGATGACTTAGAGCTCACTCTTGGC  
AACTCAAGGACCAGGTAGATGTAATGGATGGATAGCACATATTGCCAAATGGTTACTTCCAAATCCCTGGTGA  
GAACTATAACATTGGGTTCAGGTGAGCATTACTGATTACAGGCTCCCCCTTCCACCACCACCACCACCCAT  
TATTATTCTTTTTCAAATTTTCATTTTCCCTCGTTAAGAAGTTATATATACAGGTCCATATCCTTTTGGAACTGA  
ATTTTTACTGTTAGTGTCTATATGTATGAGTTGTTTGTCTTCAGTATTTGGTTTTCCCTTTATAGATTACCCAAA  
AAAAAAAAAACAAAAAACAAAAAACAAAAAACAAAAACAAAATACTGAATGAGGTGATGAGATAATCCA  
TATGCAACAGTGGTCTAACTTTTGTGGATATCGAGAGAGTGGAACTTTTCTTCCTTTGGCTTTTCTTCTTCA  
ATGATAGTCATTGTTGTTATCATTTGGCCTGCCAGTTCAAACACTTCATCAGCAGCTCCTCAGCCTTTAGTTTGT  
TCATCTCTTCTATTGCTAACTCAAATGAAAACCTCTGTGCCATCTTCTAACTTCATTTTAGTTCATACAATTAA  
TGACATCTTTTGTATTATTAATGTCTGTTTATAAGGCTGTGTGACGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4123 GQ860950|Brassica napus GTP binding protein gamma subunit (GG2) mRNA,  
complete cds

CCACTCACCTGAAAAAGGGCCAAACAATGCTGAATAAAACACCCCACCAAAGCGAACTGACTCTTAGCGCC  
TCCTCCTCCTAACTTCTCTTAAATCCATCACTTGCTGCCAAAAGGGGTTCAGGAATTTCCATATTCATTCTG  
GGTCTTCCTTATTTTCGTCTTTAATGGCTTCTGTTTGATTTTTATTGACTTACTACTACATTCCAGCTTTAGGGTTT  
GAATTTTTAGTTCTTGTAATCGCGGAACCAATCGGGTATGTCCAATCGGCTAGCCCAATAACCCAACGGGTTT  
AGTCTTCTTCTTCTTCTTCGATTGATACCAGAGGAAACATCGGATTCAAGCTGAAGTGAAGCGGCTCGACCA  
AGAAGCAAGGTTTCTGGAGGAAGAACTGGAACAGTTAGATAAACTGGACAAGGCATCGACAAAATGTAAAG  
AAATGCAGAGCAATGTGGAGACAAGAACAGACCCTCTTCTCCCACTAACCCACGGCCCCATAAATCCGCTATG  
GGATCGATGGTTAGAAGGTCCACAAGATTCTAAAGGTTGCAGATGCTGGATATTGTGACATTATTTGGATTTC  
TCTTTGAATTCATTACAGATTGGGAGATTGTGATATGAAGATCATTGCTACTTTGGAGATTTTAACTCCCATTCT  
CATTTGTTGTTTGCCAGACGTTTCTTCACTTACGTACTTTTGTGAATAGTTTTTTTTTTTTTTTTTCTAAAAACAA  
TGTTGCATTCATTTGAAGACACTTACCATAAAGGTATTCCATTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_4124 AL161493|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 5

AGGTGATACACATACACAAATTGGCACTTATAAAAACCTTAGCTTATGAAGGAAGAGGAACAGGGTGAAGTG  
AGAGACCAAAGAAAGGGAAGGAAGTGGGTGAAGTGAGCAAATCAGTTGTAGGGCAGCCCCACGTTGGGCA  
TGGCTTTGGAATTACTTTGGTAACCTTTTAGTTTTCTTCTTAATTGTTTCCAATTAAGTCAACTTTTTCTTTTT  
CATTTTCTTACCTCAGTTTGTATAATAATTGAATTTCTTTGTCAAATTTAAGAAATAAAAAACAAGTTTTCAATTT  
TTTTCTTTAATTTTAAAGTTAATTCTAAGTAAAAAGAGATATCAAGGCAATAAGTTTCAAAAGCTAAAGATG  
AAAAATCAAATGTTTACAAAACGAATTACGATTTGTTTAAAATTTCAAGGTTAATTCCGTAGACTTAGCCCAAT  
GGGGCTGCCCTGTAACCTGCTTTTGGCTTAATTTGTATTGAGATTAATCCCTACGAGACCTTATTAAGTGGGGC  
TTCCAATTACAAGCGGAGAACGCCTTAAGGTCTTTTCTCTGTAGCTGTCGTCCTTTGTATTGCTGAGTACTTGA  
TCTGCAGATTCAAAATTTTTCGGTCAAGCGTAGCTTTTCCAACAAAACTCTACAAATATTTTATGTTTAATTTTC  
ATCCAAGTCCATGCACTAATATGGTTGAGTCTCCATGAATTTTTCAACCGGGAATAGGATGGTAAAATGGGTG

TGTGTGTCTATGGCAACTACAGGGGACTAAATTGAAAATACTTTATAACTAAAGAGTACTATATATATATATAT  
A

>trans\_c\_4125 XM\_002300050|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE903),  
mRNA

GCAACGAAAGAAATCTAATGTTCCAAGCCATAAGAAAAGGACAAGGATCCAGTCGGGTTGCTTCAGATAAAGT  
TGGATCTGCTGCACAAGCATCTGTTTCCAACACCTCAAACGCTACTTCAGCAATTTTGATGAAACAGTGTGAAC  
AACTACTGAAAAGAGTAATGTCACACCAGTATGCCTGGGTATTTAACACCCCTGTTGATGTAGTAAAGTTAAA  
TCTCCCCGATTATTTACAATTATCAAACACCCCATGGATTTGGGAACGGTGAAATCTAAGTTATCTTCTGGAG  
CGTATTCAAGTCCATTGGATTTTCTTGCTGATGTGAGGCTTACTTTCTCTAATGCAATGACTTACAATCCACCTG  
GCAATGATGTGCACGTTATGGCTGATGTTCTCAATTCATATTTTGATATGAGATGGAAGGCTATTTAGAAGAA  
ACTGCCAAAAACGGATGGTCATGCATTGGCAGCTAAATCTAGATCTCGAGAAGATGTTGATACGGTTAAACAC  
GTGCCTCTAAAAAGATGAAAGTTGCTTCTAGGTCCCAAGAAAGTAACACCCATACTCTCCAAGCGTGTAAATGA  
CGGATGAAGAAAAGCTTAGTCTGGGGAGAGAGCTGGAGTCACTGTTAGGAGAAATGTCCTTGCATATAATTG  
ATTTCTTGAGAGAGCAAAGCTCTGGTGGAAGGGAATGCGGAGAAGATGAATTTGAGATTGATATTGATGATC  
TCAGTGATGATACACTTTTCAAATTACGGAAGCTACTAGATGATCATTTTCAGGAGAAACAAAAGAATAATGC  
TAGTGCTGAACC

>trans\_c\_4126 BT024549|Arabidopsis thaliana At5g09960 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTACTTTTATCAAACGAAGAAGAAGAAGAAGAATATAAGAATTGCGCAGTGTGCTTGCCC  
GCTGCTTCTTCTTTGCTTCTGCTCTACGCTTTCCTCTCAATCCTCTTCGCTTAGTATAGAACTTGAACTCCTCTT  
TTTTGCTTCAATCGTCTTCTTGTCGGTGTTCTTCGTTGACAACTTGACAGATGGATGATCGGAAGGAGAAAAAC  
TGCTCCCTGGCTTTCAGTGCCACAATTTGGAGACTGGGACCAGAAGGGACAGCTGCCTGACTACTCGCTTGAT  
TTCTCAAACTTAGGGAAAAATAGGAAACAGAACAAGAGAGATGTGTCTCGGGCGAGTCTTGAAATGAAGA  
GGAGCTGATTGCCAAAGCCGCACCCCCAACGACAACAGACTCTTCCCTACTGATAATCATCACCCCTTATCATC  
ATCAGAGTCACCAACCCCCACCGACAAGAAAGAGCATTTTAAGTTGCTTCACTGCTGCGTGAAAGCTTAATT  
GAATTAAGTAAGGTCTGTCTTGAAGATGACCTCTGCAGGCTCACTTGTAAGTCTAAATGTCATTGTATTAATTG  
CTTTGGTACGAATACCTCTATTCTCCTTTATTTGAATCAGAACAAGTATTATATGTTTGGATTTTGTATGATG  
GCTCTGTTTCATTATTTTGTCTCTAATTAATCCTTTAGTTATAGAATCCATTTGGCGATTGAAGCACTAGTTGAT  
TATTATAGTTGAGGGGTGTTAGGCCTCTGACTTAAGGTTTAACCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_4127 XM\_002880080|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mtACP-1, mRNA

AGATATGAAAAAAGTGAAAAATATAATTGCGAACTGAATGAATAATCAATAAAGTTCTAAGTTCGAGTAAT  
TGGTTTCGCAAGAAGAGAAAGGTTTGAGAAAAATGGCGCTGAGGGCAGCCGTTCTTCGCCATCTTCGAGTTC  
CAGTCCAGTTCTACGCCCTAGCTCGCCGGGAATGCCAGCCGACGCCCTTGTCCGGTGGATCTCTCCGTCTATTT  
TCATCCCACGATGATCACATGACAAAGGACGAGGTCATTGAGAGAGTTCTCTCGGTTATCAAGTGTCAACCGA  
AAGTCGATCCCTCCAAGGTCAGCCCTGATGTTTCATTTGAGAAAGATTTGGGTTTAGACAGCTTGGACACCGT  
GGAGATTGTAATGGCCTTGGAAGAGGAGTTCAAGCTGGAGATACCGGACAAGGAGGCTGATAAAATAGATT  
CCTGCAATCTTGCAATTGAGTACGTATACAACCATCCAATGGCTAGTTGACAAAGTACTAGCATCTTTCACCTT  
GTCTATTTATTTCTTTGATGTTTTTGGGGTATGTTATTCAGTGAAAGAATTTTCATCTCAACATTGTTGTTTTGAC  
CGTTCTCGGATGTTTGTGAGATTTGCAATCCTTTGAACTATGGTGGAATAAATTGTAAGTCTTGAAACGTA  
GTACATTCTGTCTAGACAAATTTTCAGGGCCTACAATGGTTATAATTTTGAAAAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

AGCTGCGAAGCAATAAGCGGAGCCGGAGAAACCTTAGGTTCTGTTTCCTCATCGACGAATTGTTTAACCGCACT  
CTCTATTTGCCTCCGGAAATGTTTCTTTACCTTTGAGTTTCAATCAATCGAAGAGTTTTTGTTGTTTCTTCTCGT  
GTTTATGTAGCATTCACTGGACGAAGTTATTAATCTTAAGCAGATTGCCGCTGTGGCTTGCACTCTCCATGA  
ATTCTCTGTTCTTACATTCTTCTTGTTCATCACTTACTTGCAATCCTCGGTCGTTTCCTCTCAAGAGGCTGAG  
GCCTATACATATATGTGCCCCACGTGGTTCTCATCATAATACTCGGATATTTGCTCCTTCCATATCGTTTTCCAGC  
CTTACATATTAGTAACTCAGCTGCCCCGTTCTTCAACTCCTTCAAATGAAGGTGTAGTATCTGTAGTCAATTTAGA  
AGATTTAGTTGAAAAGGACTTTTCGTTTCTCGATTGAGATGATTTTAGTTCCGTAGAAAGAGCATGATCGAAAAA  
TTAGACGAATTATTTCTGCTGGAGAGATTGTAGAAAGTTCTCAGGTTATGGTTTCCATTTCTTCAGAAGGATTT  
GTTGATCAGTTGTTTCAATTAGCTCCCTCCCGAAGTTTGCTTGTTGTTTCTGACTCTATTCTAACGTTAGCTTGT

ATTAAAGAAAAATATGACAAAGTTAAGTGTTGGCAAGGAGAAATTATATATGTACCAGAAAAATGGGGACCT  
TTCGATGCTGTATTTCTCTATTATCTCCNGGCCATGCCATTGAACTCGACGCAATTTTTGGAGCACTTTC

>trans\_c\_4131 DQ224372|Glycine max ornithine aminotransferase mRNA, complete cds

CAAGAACAAGCAGAAAACTCACTCTTAGCTCTCGAGCTTCTATAATGATAAATCCCCCTCTTTCGCGACTA  
CTTAACACAATTTTTGGCTATGATATGGTGCTTCCAATGAACACTGGTGCTGAAGGTGTGGAACTGCTTGA  
AGTTGGCAAGGAAATGGGGTTACAAGAAGAAGAGAATCCCAAAGATGAGGCTATTATTGTTTCATGTTGTG  
GGTGCTTTCATGGCCGAACGTTGGGTGTTATTTCCATGAGCTGTGACAATGAAGCTACCCGTGAATTTGGTCC  
CTTGTTGCCTGGACATCTTAAAGTTGATTTTGGTGATGCAGTTGCCCTTGAGAAAATCTTTACAGAGCACGGTG  
ACCGAATAGCTGGGTTTTTGTGAGCCTATTCAAGGAGAGGCAGGGGTTATTATCCCCCTGATGGTTACTT  
GAAAGCTGTGAGAGATCTTGCACAAAATATAATATCTTAATGATTGCTGATGAAATACAATCTGGCTTAGCA  
AGGTCAGGAAAACTATTGGCTTGTGATTGGGAAAATGTCAGACCAGATTTAGTGATATTGGGAAAAGCATTG  
GGAGGTGGCGTAATTCCTGTAAGTGCTGTCTTGCTGACAAAGAAGTAATGCTTTGTATCCAACCTGGAGAGC  
ATGGGAGTACTTTTGGGGGAAATCCATCGGCAAGTGCAAGTTGCTATTGCATCACTTGAAGTGATCAAAGATGA  
GAGACTTGCTGAGAGGTCAGCTACATTAGGAGAGGAGCTCAGAAATCAGCTTATCAAGATTCAGGAAAAATT  
CCCACAATACAT

>trans\_c\_4132 NM\_124028|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein  
(AT5G46580) mRNA, complete cds

ATTCTGCAATTGCTTGATTGATATATGTCGAAACCAAATCTTCGCGAGAGAGCTCATGAATTGCTCTACTTGG  
GAAGTTTATATGGATTGTACCCAGGTCTACACAACAAACTGAGACCGAATGGTGCTGGATGTTTCGATCTCT  
ATCAGTAGGTGCAGCTCAAACCTGCACTTGAAGAATGGATGATAACTCTATCAAAAATCGTACAACGAAAAGAA  
GCATTACCTGAATTGTTATCAGCTCAAACCGGAGCAGGAACTCACAGGTTTTCCCAAGGACTAGCCAATTCATT  
TGCTTCTCATGTAGATAAACTTGCTGCTCCATTTCAACTGCGAGAAGATCGAGCTGGTTGGTTTGTAGCCACAA  
GGGAGGACTTAGTTACATGGGTGCATTCAAGAGTACCATCTGTGCCTGCCACAGCTTAACCAGCCATGGATGA  
TGGAATTGGCTTCTTTTAGTCACCTTTCATCACTATTCACTACAATGTACGAGTTCGTTTCATGCAAAATATTGTA  
CTTCCCAAAGTATAGAATAGAGTTGTTTTACTTCATTGTTAGACTTTCTTCTGCTTGAATTTTGCTTGTAAT  
GATATAATTTTAGAGAGACACAAAGCCTTCAATAGGCATACAAACAGAGAAAATTTGTAGAAGGATAAAATTT  
CCAACCTCTATAATCCGCAAGTGGTGGAATCCACCGTACAAGGGACTGCTCAATTCAGCAAGTAAATTATACC  
CCCACCAATTTACAAGCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4133 AL161561|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 61

AATTTCAATTCCAAATCTCTCTCTCTGTTCTTCATTCCGCATCTTCTCCTTAGTAATTGTCCCCCAATTTAACA  
TTTTCTCTCCAGAAATGGGTTTCAAGGGATTGCGCAAGGAGGAATCGCTTCCATTGTTGCCGGTTGCTCCACT  
CACCCACTCGATCTCATCAAAGTTCGTATGCAATTGGCTGGCGAGAAACCGGCGCTTCAAATCTGCGTCCCG  
CCCTACATTTCAATGTTTCTCGTTCAGTTGTTGTGCCGAATATTTCCACCCTCCCCAACGCAACCTCCCCGTG  
TCGGACCCATCTCCATCGGCATGCGGATTGTTCAAGTCCGAAGGCGTTCCTGCTCTGTTTTCCGGCGTCTCTGCC  
ACTGTTCTTCGGCAAACTCTTACTCCACCACTCGAATGGGTCTTACGACATCCTCAAGACTAAATGGTCCGAT  
CCAGATTCCGGAAGTATGCCTCTGACCCGAAAAATCACCGCGGGATTAATCGCCGGTGGGATTGGCGCGGCG  
GTCGGGAACCCGGCCGACGTCGCAATGGTAAGAATGCAGGCCGATGGACGGCTCCGGTGGCTCAGCGGCG  
GAATTACGCAGGCGTGGTGACGCGATCACGAGAATGTCGAAGCAGGAGGGTATTACTAGTCTGTGGCGTG  
GGTCGGCGCTTACGGTGAACCGGGCAATGATCGTGACGGCGGCGCAGTTGGCGTCGTACGATCAGATAAAA



GAGACGATATTGGAAAAGGGAGTGATGAAGGACGGACTGGGGACCCACGTGACGGCGAGTTTCGCGGCGG  
GGTAACACGCGG

>trans\_c\_4134 NM\_001035851|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein (AT1G01490) mRNA, complete cds

TTTCAATTCCAAAACATTTTCATCATTTTTTTCTTTCCATTCTCTAAATTTTCTCAAACCTTCCTCTTGATTCTCGGT  
TTTAATCTCTCAAGCAATTATGAAGAAAGTTATCGTGAAATTGGATGTTTCTGATGAAAAATCTAAGCAAAAA  
GCTATGAGTGTTGTGTCTAGCCTATCAGGAGTGAACCTCAATCTCAATGGACATGAAAGAGAAGAAGCTGACA  
GTAACAGGAGACGTAGATCCAGTAGTGATTGTAAGCAAATTAAGGAAAATTTGTCATACAACAATAGTTTCCG  
TTGGACCAGAGAAAGAAGAGAAGAAACCAGAACCAAAGAAAGATGAACCAAAGAAGGAAGATCCAAAAAA  
AGTAGCTGAGGAAAAGAAGAAAGAAGAACAAAGACTTGCAGAGTTCATCAAAGCTTGTCAAGCTTATAATCT  
CTATAACAATCCACCACAGTTTTCTACCCTCCTAGAAGCATTAGCATTGAAGAAGATCCAAATGGTTGTGTTA  
TTTGTTAAATCTCCCTCACACTCTCTTCATAAAACAGTCCATTTCAAAGGGTAATGATGAGTTTGGAGGAAG  
TTTCATTCCTTTGCAAAGTTCTAAACCTAAGTTGAAATTTACCCTCTTTCCCTCTTTCATATTGTGTGATTTCAT  
GTACCAATCCCTCCCCCTCCCCCTTTTTATGTATGGAAGATTGCAATTTGCTTCCTTCCAAACATGTAGCGA  
ATAAAGATACATATTCCCTCGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4135 NM\_102223|Arabidopsis thaliana DNA-binding protein-related (AT1G23750) mRNA,  
complete cds

ACAGCGCCACACACACAAACCTAAATCCATCGAGAAAGAAGACAACCTTTCGGTCCATTTTCACGGATTTCGGAT  
TCAGCTTTTCGCATCAATGGCGACAGGGAAATCACCTACGCCGGCATCGCAGGAGCTGCAGCAGACCAATGCA  
GCGGCTAGACCTGGCCTGAGGAAGCCAGTCTTTGTTAAGATCGAACAGCTCAAACCCGGTACCAATGGTCAC  
ACACTCATCGTCAAGGTTGTTAGCTCCAATACCGTGTTCGAGAAGGGTCGATCCGTGTCTCAGCACCTTCGGC  
AGACGCGGATCGCTGAGTGCTTGTGGCGACGAACTGGAACCATTTTGTTCACTGCGCGTAATGATCAAGT  
TGATCAATTAACCTGGGACAACCTATCATTCTCGAAATGCAAAGATCGACATGTTCAAAGGGTCTATGAGG  
CTAGCAGTTGATAAATGGGGCCGCATTGAGATTGCCGATCCTGAAGATTTGTGCTCAAGGAAGACAATAATC  
TATCTTTAGTCGAGTATGAACTTGTGAATGTTGCAGAGGAATGAGAAGGTACTACTGAATGCCAACTTTAAGA  
CAATGGGTTGAGATGGCTGGTCAGTGAGTTTCTGGTAATCTGCAGATGTGAATATATAACAACGCTATATTA  
TAATTTGTGTGGGTGAAGTATTTAAGCGAACAAATCCCTTGATTTCTTCTAAAGCTCTATTCCGTCGGTTTGAC  
TTACACAAAGCCATGTTTTGTGCGGGAAAGGTATAAATAGGTACTAGTTTGGGTACTTGTATAACTCTGGAA  
ATGTAATAGAGC

>trans\_c\_4136 NM\_104658|Arabidopsis thaliana CW14 (CW14) mRNA, complete cds

GATTGCGTATGCGATTGCTCGACATCGCTCAGCTCCGTTTCCGATTGCCAAATCCACTGCACAACTCCGAAAC  
TCCACAACACAACCACTGCATTGCGATTTTCTTATCTTTCTCTCCGATCTGTCGATCTCTCTCACATACCGC  
GCCCAGCAACCCCCGGCCACCGCATAATGGGACTCTGCGGCTCCAAGCCGGAAGGTTGCGTCCGAGGAAGA  
CTGGTTCCATCGGGAAAGAGGAATCGGAGACGGAGAAGAAGAAGTATTAAGCGCCGAACCTCTCTTTGAAG  
CTTGATTCCACTTCTGCACCTAATCGCCCTCATTCTACTCTACATGTGCAGCTAGAGGAAGTGTGGATGCGGC  
ATGGTTTGATTCTACTTCCGTCCTTGAATCTGATGACGAGTTTTATAGCGTTCGTGAAGATGAGGTTT  
CCACAGAGGGTGAAAATGGTAAAGGAGGTGAGGCTGCTGAGTCGAATAACTGCGGGATTCTTCCAAATACTT  
GTTTGCCATATCTGGCTGCTGCTGGACCCTCAGTTGAAAAAAGGAGACAAACAAACCAAGGAGCCCCAAATCC  
AAATCTAAGGAGAAAAGCGTCGTCAAACTCTCATTTAAATTGAAGGAAGGACATAGTGATCCGACGATTTT  
TTCACCGAGGGCACCTTTACAAAACTAATAGCTGGCACTTCAGTCCCGCATTGTCCAATAGGGAAGAGAATG

CCCAATTGCTGGTCACCAATTGACCCCAGTGTTTTAAAGTTCGAGGGAAGAATTATTTAGAGATAAGAAGA  
AAAGAGTTG

>trans\_c\_4137 AL161508|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 20

AGAGAAAGCCACTGCTGCATTCTTACCACGCGTCTTCTCCCTCTTTCCAAGTATTTCTTCTTCTTTCTTT  
CTATTTTCTCCGACAATGAGATCAGAATCATAGTCATTTTTGTTCTTCTCTTTTCCCTTTTCTGGGTATTTCCCC  
ATTCTTCGATCGGTTTGAGATTTTGGGTCTTCGAAAATCGGGTTTCTCAACTGGGGTTTGAGATCGCAGTT  
CAAAGATGGCGCCCTCGTTTGATTGGTGGGAAAAGACACTCACAGAGGAACCCCTGTTGTTGTCAAGATGG  
AGAATCCAAATTGGTCGATGGTTGAAGTGGAGGATGATTTTCTCATCGCTGGTGAGTCACC  
CACGAGTCGGGTGAGAGAGAAAGGGAGGGGGGAAAAACGCTAAGCAACTCACGTGGGTCTTCTCCTCAAGG  
CACATAGAGCCGCCGTTGTTAACTTCCATTGGCTCTGCAATGGTGGACCTTGCCGCCGCCGTTAGACGCCG  
TGTTGCTTCTGGACGGACTGATGAGGAGGACGCCGACAATGACGTCACTGTCGGAGGTAGAGAGAAAGAGA  
ACCCGACTGTTAAAACGAGATTCTATTCTGTATTAAGGTGTTTCTATGGCTGTGGTGCTTATGTTGTGTTTTG  
AGATTGCGGCTTTCTTAAGGGCTGGCATTGTTGGTAGTCAAAGCTTCAATTGGATTATCTCTGGGCATCGCCT  
TGGGGTTTTAAAGGAGTTTTTGGTTGGATTACGCTCAGTGGGTATTGATTGAGTAGAATATTTAGCTCCTCC  
CCTA

>trans\_c\_4138 BT014934|Arabidopsis thaliana At5g18540 gene, complete cds

AGAGAAGATCCATAGCCAATGGTGATGGAAGATCTTACCGAAGAAGAAAGACGTGCTCTACGAGGAAGCAA  
GTTGCTCCTCTCCCATCGCAATCCACTTCTTCTCGATCTACCCAAGGTTGGCTCATCCAGGTGGACCATTGAA  
AACCAACAAAGCCGCGGCTCTCGCTAAGTTTCTTACCGGAAATTGCACCAAGATCCTAATGCTTCTTCTAT  
TAATCCCCAGATTTTGACCTTGCTGTTGAAATGCCAAAGCCTCTGTTCAATCCAGTGGTACAAATATTCGGC  
ATGTGGACACATTTGATGACCCTGAGGCTTCTTTGATGAAGGGGAATCTATGAATTCTGAGCTAAAAACA  
AAAGAAAAAGAACAAGAAGAAGAAAAATAAAAAATAAGAAGAACAAAAGGCAAAAGATTGTTGAGGACTCCG  
AGTGTGGCGTTGGAAAAACCCAAACCCAAAAAGAAGTTGAGATTGTGAGCTGAAAGGAAAGGAAACAGAG  
CTGGAGATAATCAGTTTTCAGAAGATTGGAGAATTAAGTTGAAAGGATGAACCTTTTTTGAAGCAAGGCAG  
CTAGTAAGCCATACAGGGTTGCTGTTCTGATGTTTTGAACGAGAACTATAAAGTCTCACATTACGAGTCTA  
AAACAATTTGATTTCTCTAGTGAAAGAATGATGTTTAGCTTCTTACTCATGTTGCAACATTCTTTGTTTTGTT  
GGCAAATAGCAACTTTCTTAATCCAATGACCTGAATTCGATTTTTCATATGAGAAATATTTCCATATGTACAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4139 FJ362591|Vernicia fordii 60s ribosome protein L19 (RPL19B) mRNA, complete cds

CTCTTGGATTGCAGCAGCACGAAGGAGGTTTAGAGAAATGGTTTCGCTCAAGCTTCAGAAGCGGCTTGCCGCT  
AGTGTCTCAAGTGCGGTAGAGGCAAGGTCTGGCTGGATCCTAATGAAGTCAATGAAATCTCTATGGCCAATT  
CTCGCCAAAACATTAGGAAGTTGGTGAAAGATGGATTCAATATCAGGAAGCCAACAAAGATTCACTCTCGTTC  
TCGTGCTCGACGTATGAAGGAGGCTAAGAGGAAGGGACGTCACTCTGGATACGGTAAGCGTCGTGGTACCA  
GAGAAGCTAGATTGCCACGAAGATCCTCTGGATGAGGAGGATGCGTGTCTGAGGAGATTACTCCGCAAGT  
ATAGGGAGTCGAAAAAGATTGACAAACATATGTACCATGACATGTACATGAAGGTTAAGGTAATGTTTTCA  
AGAACAACGTGTGCTGATGGAGAGCATCCACAAATCAAAGGCTGAGAAGGCTAGAGAAAAGACATTATCA  
GATCAATTTGAGGCTAAGAGAGCAAAGAACAAGGCCAGCAGGGAAAGAAAGATTGCCAGAAGAGAAGAAC  
GGTTGGCCAGGGACCTGGTGAAAAACAGCCGACGCTGCCCCAGTTGCTGCTTCTCAAGCTCCTCAGGTATC  
AAAAAAGCAAAGAAGTGAACCTCTGATCGTTCGTAGATCCTCAGTTACTGTACTGGTTTTGACCACTTTTGT  
TTTTTCTGTTTTGGACAATTTTCTCTGTTATCAAAATTCAGACGAATAGATATCTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4140 AB359921|Solanum lycopersicum LeSSADH mRNA for succinic semialdehyde dehydrogenase, complete cds

AGATGTGGATGTTGCAGTAAAAGGATCTATTGCAGCAAAGTTCCGAAATAGTGGACAGACTTGTGTTTGTGCC  
AATAGAATTCTTGTTCAAGAAGGAATATACGAGAAATTTACAAATGCTTTCTCAAAAGCGGTGCAAAATCTGC  
AAGTTGGTGACGGGTTTGGTGAAGGTGTAGCTCAGGGTCCTTTAATTAATGAAGCTGCCGTGCAGAAGGTTG  
AGAAATTTCTTCAAGATGCCACCACAAAGGGAGCGGAAGTTCTTCTTGGTGGTAAAAGACACAGCCTTGGA  
TGACATTTTTTGAGCCTACAGTTGTTGCTGGCGTGAAAAGTGACATGCTTTATCCAGGGAGGAAGTATTTGG  
TCCCGTGGCGCCATTACTGCCATTCAAAACAGAAGAGGAAGCAATTGCTCTCGCTAACGACACCAATGCAAGA  
TTAACTGCTTACATATTCACAAATAATATTCAACGTTCTGGAGAGTGACTGAAGCTCTCGAATATGGAATGGT  
CGGTGTTAATGAAGGCCTAATTTCTACAGAGGTGGCTCCATTTGGTGGCGTTAAACAGTCAGGCCTTGGAAGG  
GAGGGGTCAAAATATGGGATGGACGAGTATCTTGAGTTGAAATATGTTTGCTTGGGGAATATGGACCGCCAA  
TGATGAGCAATACTGCAAGCAATGAACCCGTCCGGCAGGAAATAATGGGCTTTGGCTTTTTCTCTCTGAGCC  
CAGCAACCCATAAAAGTCAGATAAGCGAGGCCATAAGTCAAGTTCATTTCTGTTTTCTGTTCCCTATTTGTGT  
AAACAGTCATGC

>trans\_c\_4141 AF332195|Raphanus sativus aminolevulinate dehydratase (alad) mRNA, complete cds

ACTGCGCCGCTGACCTGCTCTTCCACAGCAGCGTTTGTTGAATCCTGATTGATTGTTGAGTCCACCTTACCAAAT  
ACTCATCCGATAAGGTCGCCGGTACACCTTCTCCTTCCCTCCCTCCTCTCTCTCTCAATTCCCCGCTTCT  
CAATTCAGCTCCGACGGTACATTAGGTTTCTCCTAATTTATGGCTTCAACAGTTCCTAATGCGCCTAATAGCGTT  
CAAAGAATTAATGTTTGGATTGCGGCTCCTATGTTGGGCTAAACGTTCCGCAAATTCAAATTTCTCTGCGT  
CAGGACCTCGGCCAATGTGCGTTCTCCACGTCTTTTCTGTCGTGAGAGCTTCCGAAGAGCATGACGCACATATG  
AAGAAGCTCGGAAGAAGTGATGCGGAATGCGAAGCTGCTGTTGTGGCTGGCAACATTCCAGAAGCGCCTCCT  
GTGCCGCCGAAACCAGCATCACCGGCTGGAACCTCTGTGGTTCCTTTGCTGCCTCTCAGTCGTGTCACGTGCG  
TAACCGGAGGTCTCCAGCAATGAGAGCATCGTTTCAGGAGACCAATCTGTACCTTCCAATTTGTATATCCAC  
TATTCATTCATGAAGGGGAGGAGGACACACCAATTGGAGCTATGCCTGGATGTTATAGACTTGGATGGAGAC  
ATGGACTTTTGAAGAGGTTTCCAAAGCTCGAGATGTTGGTGTCAATTCGTTGTGTTATTCCCTAAAGTTCCA  
GATGCATTGAAGACTCCAACAGGGGACGAAGCTTACAATGATAATGGTTTAGTGCCTCGAACAATTCCATTGC  
TCA

>trans\_c\_4142 Novel Gene

CAGCCCCCAAACTGAACTAGTGAAGAAAGCAGGCCAAAACTGTTTCAGGAAGTCAGCAAACCTCTCACTCCCA  
AGATGATATCTAGAAGGGAAACGAAGGCGTCTTCCAGATCTCAGGCTAATATTCCTCAAAGTCGAAGAAATGT  
TTCGATTGGGGTTCTGAAATCTAATAAAAGCAAAGGGGAGCTTTCACATACAACCTTGACCCGAAGCTCAACCA  
TCAAAAACCTGCCATTTCTCGTGCAAACCATGTCCGTGCAACGCCCAAAGTTGAGGATTCTAAAGTTCTCCAGG  
GAAGAGCTCTTCTCGAGAATAGAAGATGTAGTGGAGAGAAGGGACAACTTCTGGAGTATCATATTCTCCTTC  
ATCAAAGCTTGAGTCTAGATCATATTTAAAGACAACCACCAGGCCAACTCGGACTGTCAACCCGGCCATGCAA  
GATACTGGGAAAAACAGTTCAGCTTCCAATAGAAGCAGGGGCTTGGCAGAAAGGAGAAATCAGGGCAAGCA  
AGACTCTGAAATGAAGAAATTACAGAAAAATGTTGACATCAGATCAAAACCAATACCGTCTTCTTATGGTGCT  
GTTTCGACCAGAGTCAGATGGGAAGAAGGCTGTGTTTAGTGGTACCAAAGTAAGAAACAGTTCAAGGAAGTCC  
ACAGCTGTGGCATCCTCCACTCACTCACAGTTACGAAAAGGCATTGATTCCACTGCAAGGGAAGTGCAAAATA  
CTTCAAAAAACATCAGCTATCAAGCAGCCGTGCATGTTGAAAGCAGCGGTGGTTCTTCGAGTTCATCAGCCTA  
CATAGAGCATATCCA

>trans\_c\_4143 NM\_119180|Arabidopsis thaliana ATDGK7 (Diacylglycerol kinase 7); diacylglycerol kinase (ATDGK7) mRNA, complete cds

TGTGAGATCTCTTGTGCTTTGAATCTCAACAACTATGGTAGTGGCAGGCATCCATGGGGAAATCTTACGCCA  
GAGTACATGGAAAAGAGAGGATTTGTAGAGGCACAGGTTGATGATGGTCTTTTAGAAGTTTTTGGTCTAAAA  
CAAGGATGGCATGCATCACTTGTTATGGGAGAACTCATCTCAGCTAAACATATAGTTCAGGCTGCAGCGATT  
GATTTGAGCTTCGAGGTGGAGAATGGAAAGACGCATTTTTGCAGATGGATGGAGAACCATGGAAGCAACCG  
ATGAGCAATGAGTTTTCGACTTTTGTGAAATCAAGAGGGTACCTTGTCATCACTCATGATCAGCGGAGAAT  
AATTAGAGAGATAAGCTACACATTGTTGATGATACTGGCAATTTCTTACTGTTAGGATTAACCATTAATGTAAG  
TAACCTATGTCGTTGGATCTTCCTTTCAAAGGAATGTAAATTTTTTTCTTTCTTTCTTTTTTTTTATTTTAA  
TTTTTATATTGTGGAAGTAAGTTTTTAGGTGTGGGGAGGAAAGAGTTTGGTGTTCGGATTCAATCGAAGGGA  
AGAACATCTTGTTCTTGTTCTTGTTAGCTGAACTGAAAATGAGTTTGTGAGAGTGGCGAAAGCCTCAAACCG  
TATTTATTGTTTGTAACTTTGTATTCTGTGACATTAATTCATTTGGGAAGCTCCCAATTTATGAGAACATTTCTT  
GTAAATGCAACTGAAAACAGAATTCTAATTAATGATCCATATCTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_4144 HM122565|Malus x domestica GRF domain class transcription factor (GRF5) mRNA, complete cds

AAGGGCTAAGGTTACATTCAGGAAAGCCAAAGATGCAACCACCGCAAATGATGCCAATGATGCCTTCATTT  
CCCCACCAATATCACCACCGAGCAGATACAAAAGTATCTTGATGAGAACAAAAAGTTGATATTGGCCATACT  
GGACAACCAAAATCTGGGGAACTAGCTGAATGTGCTCAGTACCAAGCTCAACTTCAGAAGAATTTGATGTAT  
TTAGCTGCAATTGCTGATGCCCAGCCACAGGCACCGGCCATGCCTCCACAGATGGCTCCCCATCCTGCCATGC  
AGCAAGGGGGTTATTATATGCAGCACCTCAGGCAGCTATAATGGCTCAGCAATCGGGACTTTTCCCTCCAAA  
AGTTCCATTGCAGTTCGACAACCCCCATCAACTACAAGATCCACAGCAGCAACTACACCAACAACACCAGCAA  
GCAATGCAAGGGCAAATGGGACTAAGACCTATTGGTGGTGCTAACAAATGGCATGCACCACCCACATCACACT  
GAAAGTACCCTCGGTAGTGCTAGTGCTGGTGGCCCTCTCGAAGTTCAGGGCAAAGTATGGTTCGTGGAAGT  
GGCAAGCAAGACTCCGCTGATGTGGGAGGTGCAGGCACCGATGGTCAGGGAAATGCAGCTGGTGGCCGGG  
GCGGTGGTGGTGGTGGTGGAGGAAGCTAAGTAACATAGCCTTATGGCTGGTTCACATCCATGTGTGGCTTG  
TTAATAGTAGGTGCTTCGTACAATAGAGCTTCATGCTGTGGTGATATTAGTAGGTTGAGTAAAGAAAAACCA  
AAATTCTCGATTGTTTT

>trans\_c\_4145 XM\_002297663|Populus trichocarpa 4-Coumarate:CoA ligase (Ptr4CL3), mRNA

AAGTACCATTTTGATTATGCCCAAATTTGAGATCGGTTTGCTTTGCAATTGGTGGAGAAATATGGAGTTACCG  
TGGCGCCCATCGTGCCGCCCATCGTTCTGGCTATTGCAAAGTCGCCGGAGCTAGAGAAGTATGACCTTTTCGTC  
GATCAGAGTTATTAAATCCGGCGGTGCACCGCTTGGGAAGGAGCTTGAAGATACCGTAAGAGCCAAGTTTCC  
TAAGGCTGTGCTTGGACAGGGATACGGAATGACGGAGGCGGGTCCAGTACTAACAATGGGATTAGCATTTCG  
AAAGGAACCGTTTCCGATGAAACCAGGCGCCTGCGGCACCGTCGTCAGAAACGCCGAGATGAAGATCGTCGA  
CACCGAAACCGGAAGTTCCTTGCCTCGTAACACGCCGGGAGAGATATGCATCAGAGGCGATCAAATCATGAA  
AGGCTATCTCAACAATCCGGAGGCAACGGCGGCCACAATCGACAAGGATGGGTGGTTGCACACCGGGGATA  
TCGGATTCATCGACGAAGATGACGAGCTGTTCAATTGTGGATCGGTTGAAGGAACTGATTAAGTACAAGGGAT  
TTCAAGTGGCTCCGGCGGAACTGGAAGCTCTGTTGTTGACTCATCCGGTCATCTCTGATGCCGCCGTTGTTCCA  
ATGAAAGATGAACAAGCTGGAGAAGTTCCGGTCGCGTTCGTTGTGAAATTGAAGAATTCTGAAGCCACTGAA  
GATGAAATTAACAATTTATTTCAAAACAGGTAGTTTTCTACAAAAGATAAACCGGGGTGTTTTTCATAGACG  
CAATCCCAAATCGCC

>trans\_c\_4146 NM\_118106|Arabidopsis thaliana lecithin:cholesterol acyltransferase family protein / LACT family protein (AT4G19860) mRNA, complete cds

AGGGAAATTTTAAAGAATGCTAACCTACCTCCTCAGGTCAAGTTTTACAATATATATGCAACTGGTCTTGAAAC  
TCCACATACTGTTTGCTATGGAGATGCAGAAAATCCTGTCGCTGATTTACATAAACTGCGATACACTGAGCCCA  
AGTATGTTTACGTTGATGGCGATGGGACAGTTCCGGTGGAATCGGCAATGGCTGATGGACTTGATGCAGTAG  
CAAGGGTTGGCGTCCCTGGTGAGCACCAACGCGTTCTTAGAGACCACCGTTTGTTCCGAAGCCTGAAGCATTG  
GCTCAAAGCAGGCGATCCCGACCCCTTCTATGACCCACTGAACGACTACGTGATCTTGCCAACAGGTTTTGAG  
ATTGAAAGTCATGTGGAGAAGGGTCTGGAAGTAGCAGCTTTGAAAGAGGAATGGGAGATCATCTCCAATGAC  
CAAAATAAACAGACGAGTTGTGTAGTGGGAAGCCAATGGTCAGTTCGATAACATTATCTCAAATTGTCGGG  
GACTGCCCATCCTCTAGGGCCGAGGCTTGCGCAACTGTTGTAGTTCATCCCCAGCAAGACGGTAAGCAACACG  
TTGAGCTGAATGCTCTAAGCGTGTGCGTTGATGCATAAAATTAATTGTCATGTAATTGTGTTGCAATCAGCCTT  
ACAAGGTGTGAATTCATGAACGGTCTGTACAGTCATTTGTGTGATGAAAATTGTATATTTAAATTTAAATAAT  
TTTTCTCCTTATGTATATAGCAAATGAAATGTATCCGAATGATGGTTTCTCCAAGTGTATAAATTTAATAAAT  
TTAATAAT

>trans\_c\_4147 NM\_111428|Arabidopsis thaliana hypoxia-responsive family protein (AT3G05550)  
mRNA, complete cds

AATGTTTATTATTTGAGGCTTTGAGTTGAGCTGCGTGTTTACTTTTGTCTCCCCGCCCGCCGCCACAGAT  
TTTCAAGCGTTTGGCAAATTCGACTTTCCTTCCTTTCATTTGACAATAAATACAAATCTCTCGCTGCTGTTTCTTC  
GCCATTCTCACATTTTCCGAAACCTCCGTGTTTTCTCCTCTCTTCTCTTCAATTCCTTACTCGATTTCTGTTCC  
CGTCATCCATGGCTGAACCCAAGGGCAAACCTCGAATCTATTAGGGACTGGGTTTCCGAGCACAAGCTTCGCAC  
CGTCGGGTCTTTGTGGCTTAGCGGTATTGCGGGTCTATTGCGTACAATTGGTCTCAACCGAATATGAAGACC  
AGCGTGAAGATCATCCACGCTAGGTTACACGCACAGGCTTTGACCTTAGCTGCTCTTGCTGGCGCTGCAGTCG  
TTGAATATTATGAACACAAATCAGGAGCGAAGGCCGAGCGATACGCCAAGTTCCTTCCAATTGATAATTACTC  
ACACAAGGAATAAGCTTTTTTTTTTATATTTTTTTTCTTCTCATTCTACCCTGGAGGGTAATAAAGTAGTTTC  
ATTCTGAGGCTTAGAATTCCTTACTGCTCCATTCTTTTTTTTTTTTTTTAGTTTTATTTTCTTTTCACTAAATTGGCA  
AATATCAATATTTAGATGCTTGATTCATGAAAGAAATTTCTTTGTAAACATGGAGAGGTGAATACTCTTGAT  
TATGAATGAAATGTTTGTTTATTTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4148 NM\_129102|Arabidopsis thaliana shikimate kinase-related (AT2G35500) mRNA,  
complete cds

CCTTCACCAATCTCCTTATCCATTTTTTTCCCTTTCTTCGCGCGAAGCTCTCTAATGGCTTCGACGAGCTTT  
ACCAGCGCTTTGTGTTTTTCTCTCAAACCTATCAGAAACCTCCAATTTTCTTCTCCGATCTCCTCTTAGTT  
CCAGTGGCGTCGCATTTTCTCCATTTCCACCGCTCTTACTTCCTGCTCCAGCCTCTCTCCTTCAAATTCTCGTTTC  
AGTTCCCGTTTCACTCGTAATTGTTCTCCAGCACCGCTCCAGATCGCACTTTGGATTACGAGATTACCGATAG  
TTCTTCTGAAGTGGAACCTGAGGTTACAACCTCGGGACTCAAGACATTCGTAGTTCTAAAGATGTTTATATGGAT  
GCAAATGAAACCTCTTGACTATTAAAGTACAACGCCTGGGATCTATCATAACTCTTCTGGAACAAAGCAACT  
ATTTGAGAAAATAAACCTGCAGAACTATATGGTATATTGATGAAGATCAATTAATCATAAATCTAAAGAAG  
CATGATCCGGACTTGAAATGGCCCGACATTGTAGAGTCTTGGAATCCCTAACAACAGGTTCTACGCAGCTTC  
TAAAAGGAACTTCTATATTTTGTAGAGGGATTCAACAGATATTAACCAAAAAGTTGCTCATGAACTCGCACTT  
GGACTTGAGTATACTCATTGAGTACAAAAGAATTGCTGGAAACATTCTCCAAGCAAATATTGATTCATGGA  
TGCTTGCTGAAGGCTCCAATGCTGTAGCACAAGCAGAAAACACTGCTATAGAAAGCTTAAGCAGCCATGTT

>trans\_c\_4149 NM\_111078|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein (AT3G02120) mRNA, complete cds

AACCCAAACCTATTCCAATTCCACCATTACTCTCTCTTTTCTTCCTCTCCTCAAGCAAATCCTATTTCAATGG  
AGGTTCTCACCCGATCACACGTTCAACTTTCCGACTCTGATGACGCCAAACGGCAGCGATCCTAATCCCAGAA  
CTTGACAAAAAGTTGGAAATTTCAAATTCTGAGTGTAAACTACAACCTCCAGATGAGAAAACAGAAGAAAAAC  
AGAGGGTTTTTGTTCCTGGAAAGGAATCCAAGGCGCCAAAAAGCCCTACAAAGCTGAATCTGGAGTGCAAAA  
CTCCAACCCCGGATGAGAAAACGGATAAAAAAGAGAGGATTTTGGTTCCAAAAAATGGGTCAATGGATCGA  
TCCAAGGTGCCGAAAAGCCCTGGAAAGGTGAATTTGGAGTGTAAACTCCGACACAAAGGTGAAAATAGG  
AGGCATTGAGTTACCTAAAAATGGTACTCCTAATCGCCTCAAACCTCCCATCGCATTCAAACATCCGAAAAGT  
ATAAAAGTCCCACTGATCTGATGATTTCTCCTATCAGCAAAGGCCTTCTTGCCAGAACAAGGAAAGGAGCTGT  
TCCTTCCAAGAGGCATGAGTTGAGAAATTCAGAGATGAGCCTTCTATCCCAAAGCTGAACCTAGGGATTCTA  
TTCCTTTTCTCTTCAAAAAATTTGCTCACTCAAATTGTGATGCAAAAATCTAGAAATCTTCTTCTAGAGAACC  
TTCTATTTCCAGCCCTTTTATCTCTTCTTGCTTGTTAAGTGTTCTTCCAATCTACTGTTGTGAATTACTATG  
TC

>trans\_c\_4150 Novel Gene

TGGTATATGTGGAGGCTCGCTGAGGCAAAGGGGGCTTCTTCAAGCGCTGCAGCAGTGGCTGCTGGTGCCAGT  
TTACAACTGCAGCAACAAGATCATCACCAGGAACACCAGCATCCACAGCATCCTCAGCAGCCACAACCTTCTG  
ACCCACTTAATGGCATTCTCAATCTCGGGGCCTGCGCATGGGGACAGTGACTCAGGTTGAAAAGAGTACATCT  
CTGAAACCCAATCAATTTGTCCACTGAATGAAAAGTATGCCGACTATGTGGGAGTAGTAGAAGACTCAACAAT  
GAATATTTTGTTCCTCGAGGTTGAATACTCTAGACTTCCATACTAAATAATGAAATGACATGTGCTAGTTTTCTT  
TTCTAGGTTGGTTGACATCACTTTAAGGCCGTCAACATGTATCATGCGGCGGGTGGGAATTTATCCATAGAA  
TGTTCTCTGAGTGTGCTTTCAATGTGATTTAGCCCAGTTGGACTTCGACCAAACCGCTTGTCATATTCAACG  
GCAGAATAGTCTGTAATGACTTTATGATCTATCTTACCCTTCTCTCCATTTCAAATTTACTGCCTCCTTGGTCA  
TAGTTTGTATATAGAACAAGAATCATGAATGGGGACAATCAATGACTGACTGGCTGTGGCATTGTCTATTGG  
ACTTATATTCTTATCTTATCCTTCCCCTCTATTCAACATGGGTGGGAGATCAATAGCGTCATTTATCTTTCTTTC  
CTTTGAAAATATAGCTGATGTTTATAATAATAAAGTGATAGTATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_4151 NM\_129523|Arabidopsis thaliana radical SAM domain-containing protein (AT2G39670) mRNA, complete cds

GGGGAAAAAAGAAAAGAGAACAGTTCTCACTCTGCTTCTCAACGATGATTGCCATTTCAACGGCCCTCATTC  
ACCAAGTTTGCTCGCCGTCCGTGCGCGTGCATTACGCTCTCGCTGCGTGGCTGCCGTTCCCTCTCGGAACCTC  
TCCACCTCCATATCCTCTTCCGCTGAGCCCTCTCCTGAAGCTCCCAAAGTGCTCATTGGCTTGTCGGACCAGGA  
GCTACAACAGCTCGCCCTCGACTTCGGTCAGGAGAAGTATAGAGGGAAGCTACTCCATCAGCTTATTTACAAG  
AGGAAGGTCAAGGAAATTGAAGAATTTACCAATTTGCCACTGAAATTCAGGAATGATCTTCAAGAAGCTGGA  
TGGAGAGTCGGCCGTTGCGCTGTTTACCAGTCTGTTACTGCAGCTGATGGGACCGTGAAGTTATTGCTTAAGT  
TGGATGACAATAGGCTGATTGAAACAGTTGGCATACTGTGGAAGACAAAAACAATAAAGGTTCAAGTTCGTC  
TCACTGCTTGCATCTCATCACAGGTTGGCTGCCCTCTGCGCTGTTCTTTTGTGCCACTGGAAAAGGAGGATTT  
TCTAGGAATCTTCAGAGACATGAAATTGTTGAGCAGGTATTTGCAATTGAGGATATTTCAACCATAGGGTCA  
CAAATGTAGTATTCATGGGAATGGGTGAACCAATGTTAAATATGAAATCAGTGCTTGAAGCGCATCAATGCTT  
GAACAAGGATGTTCAAATTGGACAAAGAATGATTACAATTTCTACTGTGGGCGTTCCTACACATTAAGGTT  
GGCTTCTCA

>trans\_c\_4152 NM\_001186080|Oryza sativa Japonica Group Os02g0535700 (Os02g0535700)  
mRNA, partial cds

AAGAAGAAAAGTTAGGAAGACGCAAGCGCAGTCGAAGAGAGAACTCCCATCGCCGTTGTTCTGCAGAACTGC  
GCAAGTTTTGTTTTCTTTTCAACGAATTTCAACATTCTATTCACGTTTGTCTGGAAAAAGGTTGATATTTT  
TCTGGAAGATTTAGGGCATTGATTGAAACAATCGTATTGTGATCGATGAGACCGATACGTCTGAGGGAGTCAT  
CTAGCCCTACCATGGTCAAAGCAGAAATCTTGAAGGAGGCGTTTATGGCGTTATAAGGCGTGCTGTTGTCAT  
CGGCAACGGCTCTTCTGTGCTGAAAATCAGTGTATCGGTTTGGTTCAGGCGCTTGGTCTGGCTGACAAGCAT  
GTGCTCTATCGTGTTACAAGGCCTAGAGGAGGAATAAATGATTGGCTGCACTGGCTTCCAGTTTCTCTTCACAA  
AAAATTAGATTATATCATGACCCTGATAGGTGTTTACACCCGGGTCCTGGTGAGATCCAAAGGGAGAAAACCTT  
GTGCCTCTATCTTCAGAAAATGGTGGAAGCACGGGCTTGTCATGCATTTTAGAAGCTGACTTGAAGCATATTG  
TATCTATGGTTCCGGGAGACTTATGAAAAGAATGGACCTCTATTGGTGGTTGCATCTGGTAGAGATACCGTAAC  
TATTACGAGTTCCATTAGGCGACTGGTATCAGAGAATGTTTTTGTGTGCAGATTCAACATCCAAGGTTGCAAT  
TGAATCGGTTTCGACTTGGTCATCACCCCGCATCATGATTATTATCCTTTAACTCCACAAGCACAAAGAGCAAGTT  
CCTCG

>trans\_c\_4153 Novel Gene

ACATCAGACAGAAAGATAAAGGTTGCAAATCGAAATATGGAATCGAGAGGGATTCTTAGTCCGAGGAGATCC  
AACCCCAATAGGACGCCACCTGCCATCTTCTGGCAGCACATCTGCCCTGAATTAACCATTGAGTCAGCAAT  
TCCCTGTACCACATCCAATCGGCGCACAATAAGAAAGGCAAAGCAGTTGGGTGTGGCTCTCGTAAGGATGG  
TTCGGGTTTGAGTCATAAAAAGTTTTCTGATTATTCTCAAATCATTCTCCAGCCCTGCCAGAACTCGTGATCT  
TCAACAACCTTTCTATTACGACGATACAAATGAACAAAATAATCCTGAAAGCAATACTCCGATATTATCTAAAA  
TTTACAAAGAGATTGCATTTTCATCGTCAAGGAAAGACATCCATTAATACTTACTACGAAAATCTCAAGCAATTA  
TGGAATGAAGCAGCTTCTTCAACCTGTACTAATTCGCCTCAATCTTCTCCAATATTGCAATTGTTGATCACATT  
GAGCTCATGGAAAGAGATAAACTAATGCTATTTCTTCTGGGACTAAAGGATTCTGATTCTCTCACTTTGCTCCCA  
ATTCCTTCTTAAGCCATCTCAAACGGTGGACGAAGCTTATTCTACAATAATTAGAGAAAAAAAAGGAAGGAAA  
TGCAGCACTTCCAAAAAAGAGGCAAAGTACTAGTGAAAAAACATTTGGTTTCATTTTTTCAGAAGCAACCTTTC  
TTCAACAGTTGTGATACTTATGCATTTTTTTTAATAGTTTACATCCTAAAAA  
AA

>trans\_c\_4154 XM\_002307583|Populus trichocarpa histone 2 (HTA905), mRNA

AAAGCTATTCTTCAATCCCAATTCTCTTTCTCCCAAACCTCAATTTCACTCTTCTCTTCGTTCTACCATCTTCA  
GCTTGAAAAATGGCCGGGAAAGGTGGGAAAGGGCTTTTGGCTGCAAAGACTCCTGCAGCGAACAAGATAA  
GGATAAGGACAAGAAGAAGCCCATCTCTCGATCCTCCGCGCTGGTATACAGTTTCTGTAGGACGAATTCAC  
AGGCATCTCAAAACAAGAATATCTGCAAATGGGCGAGTTGGTGCGACTGCTGCAGTGACCTAGCATCAATTC  
TGGAATATCTGACCGCTGAAGTGCTTGAGTTGGCTGGAAATGCGAGCAAGGATCTGAAAGTGAAGAGAATCA  
CTCCAAGACATCTTCAGCTTGCCATTAGAGGAGATGAAGAACTTGATACCCTGATCAAAGGAACCATTGCTGG  
AGGTGGTGTGATTCTCATATTCACAAATCCCTCATTAACAAAGCCTCCAAGGATTGAGACATTCACATGTATC  
TTTAAGTAGTGTAGCTTAATCTAATGACTTCTAAGACTGTAGATGAACACATTTACTTCGCATCCAAGAATTA  
GGTCTCTGTTTGCGTTTGTGAAGCTTTGCTACTTCTTCTCATACCCCATCTCTTTGTGTATTTGGTTGGACAA  
GTATCTTTGTTCAAGTGTAAAGATTGTTATCTTTGTTGTATGTTTTTAATTTAGATTACTTTCTACAAGTTTGTGG  
ATGGGTCACTTGAATCTGGTTATTGCTCTTCCCCTTTTCGACAAAAA

>trans\_c\_4155 DQ793133|Arabidopsis thaliana ubiquitin (UBQ3) mRNA, partial cds

CAATGTCAAGGCTAAAATACAAGACAAGGAAGGTATTCCACCTGACCAACAGAGACTTATTTTTGCTGGTAAG  
CAGCTCGAGGACGGGCGGACTCTCGCTGACTACAATATTCAGAAGGAATCTACTCTGCATTTGGTTCTTCGTCT  
TCGTGGGGGTATGCAAATTTTTGTGAAAACCTTGACTGGGAAAACAATTACCTTGGAAGTGGAGAGCTCTGAT  
ACAATTGATAATGTGAAAGCTAAGATCCAAGATAAGGAGGGTATTCCACCGGACCAACAGAGGTTGATTTTT  
GCTGGTAAGCAGCTTGAAGATGGCAGGACTCTAGCAGATTATAACATTCAAAGGAATCAACGTTGCATTTAG  
TGCTCCGATTGCGCGGTGGAATGCAGATTTTCGTGAAGACGTTAACAGGGAAGACAATCACATTGGAAGTCG  
AAAGTTCAGACACCATCGACAATGTGAAAGCGAAGATTCAAGACAAAGAGGGGATTCTCCAGATCAACAGA  
GACTGATCTTTGCTGGAAAGCAATTGGAGGATGGTCGGACATTGGCTGATTACAATATCCAGAAAGAGTCCA  
CCCTCCACCTTGTCTCCGCCTGCGTGGTGGCTTTTAGGCGGCCCGATGTCTCTGTCCCTTCTGGATGGTTTA  
GTAGTAATAAACTGGACTCAAACTACTTTTATTTTAGTTTGTTATAAATGTAATATGTTGTAATGGCCTAATG  
GGTCAGAGACAATTTCTAAAATAAATGTTATAAATAATATAGTATTTTGTATAAACAAAGATCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_4156 AY110377|Zea mays CL29192\_1 mRNA sequence

TTTTGTAAACACTCCTTTGAAATTTGGGTTGATTGAGAAAGCCAATGGCTGCTGGGACGTCTTTCTTGAGGC  
AATGTGTAGTACGACTACAAGAACATTGGTGACTGCGAAATTGAAACATTCCAGCTACCATTCTCGACTTTT  
CTCCTCCCACTTCGCACTCACTCTCGAAGATTGACCATTCTGTCTGGTATTACAAACAATGAAGAAGTTGCTGC  
TAAAGCCGCTGCATCTGATGCAGACAGTGGAGCTCCAACCATATTTGACAAAATAATATCCAAGGAAATTTCT  
TCGAACATTGTCTATGAGGATGATAAAGTCCTTGCATTTGAGACATAAATCCGCAGGCTCCCGTTCATGTATT  
AATCATTCAAAGCTCAGAGATGGATTGACAGAGCTGGGAAAGGCTGAAGCAAGACATGGAGAAATTCTGG  
GTCGGCTGCTGTATGCAGCCAAAATAGTGGCTGAAAAAGAAGGTATTGTTGAAGGATTCGAGTAGTCATCA  
ACAGTGGTGCAAGTGCTTGTCAATCTGTGTATCATCTTCACTTGCATGTTTTGGGAGGGAGACAGATGAAGTG  
GCCTCCAGGTTGAAGGCAACCACATTTTTTGTAAATGTAATTATAGGTAAACTCTTTTGATATGTTTTTTTAC  
TTGTATCTGCATTCACTGAGTGAGAACTGAGAAAAATAAAGGACAACGTTGACTTCTGCAGATGTGAATCAA  
CTCAATGGGCGTATCCGATTATTATTTATAACAGCCCAATTAGTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_4157 NM\_116973|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein  
(AT4G09040) mRNA, complete cds

GATGTTGCTTTCAAAC TAGAAGAGAGTGAACAGAGTGCGGTGAGCTCCGGCGATGGCTTCGGTTCGTCTTCCT  
TGTTCTTCATCTTCCTCAATCCTTCGCTCTAAACACCACCACCATATTTTTCTCGCACCTCTCTCATGTTGCAAA  
ATCCATCTTATCCCATCAATGGAGACTTCAATCTCTGTCTCCGCTCTTCTCCATCTCTTTTCAACTTCCATC  
TGCCACAATCCTTTGATTTCAATTATGGCTAAGAGAACCAGCAAGTTTGTCTTCCAGTTCGCCTCAACATCCCAA  
GACGAAGCAGTTTCGAGCTCGCCTTCTGATATTGAAGAATTTTCTCGAACTAGACTGCTTGCTCAGAATGTGCC  
TTGGGATTCTACTCCGGAGGATATTCGTTCTCTGTTTGAGAAATATGGTACGGTCCTGGATGTGGAGCTTTCTA  
TGTATAACAAGATTAGAAACAGAGGCTTGGCGTTTGTCACTATGGGATCACCGGAGGAAGCCCTTGCTGCGCT  
TAACAATCTCGAATCGTATGAATTTGAGGGTCGTA CTCTGAGGCTCAATTATGCTAAGCTTAAAAAGGAGAAA  
CCCTCCCCTCCTGTGAAACCAAAACCCGTTACGTTTAATTTGTTTGTGGCAAATTTGCCATTTGAAGCAAGAGC  
AAAGGACCTCAGAGAGTTCTTCGATTCAAGGGGTGGTAATGTAGTGTCTGCACAAATTATTTTTCATGAGAAT  
CCGAGAAGGTCTTCTGGATATGGTTTTGTGCTTCAAAGCCAAGAAGGATGCTGAAGCAGCTATTTCTG

>trans\_c\_4158 NM\_104299|Arabidopsis thaliana ATG12A (AUTOPHAGY 12 A); protein binding  
(ATG12A) mRNA, complete cds



ATAGTTGACAATGAACTAAAAATTTGGGGCTTTTGGCATTGCAAAGCCCAAACCTCAGGCCACGAACAATACGG  
AATTGCCCCAACCAATATCTTTTGATCGAAATCGGAGAACGTACCCACGAATTCTGCAGTCCACGGCCAAGGA  
AAACGATGACTTCTACAGAGTCGTCCACTTCTGCTCGAAAAGTGGTTGTCTGTTGAGAGCAACTGGGGATGC  
TCCCATTCTCAAACAACTAAGTTTAAGATGCCTGGCACAGACAAATTTATTAAGTTATTGATTATATACGCC  
GGTCCATTCAACGGGACACCTGTTTGTATTTGTCAACAGTGCATTCTACCGGGTCCAGATGAGACAGTTATT  
GATCTATATAATAACTTTGGAATTGATGGGAAGTTGGTGGTAAATTATGCCTGCTCCATGGCTTGGGGCTAAT  
TTGCAGCATGGTAATGCTGAGTGCTGAGGCTGTAAATAGTATCTTGAACAGTTCATTCTAAGTACTGTGATTTT  
AAACTACCCATTACGAAGTATAGTGGTAGTAATCCTTCATATTATTGGCTGCTTTCCCAATGAAAAACGAAT  
CAGTCAAGTTCTAGAGTCATACTTGTCAAGGTCCAGAGTTTGTAAATTAAGTGTATTTGATCGACGTCTTTAA  
TTAATTGTTTTAAGGTTGAATATGTTAACACAAGGATGTATTGTTCCAAGATATGGAAGCTCAAAATCTTGATT  
ACCCTACTCAGTTTCATATTTTTCTTTTACAACGTAACAGTTGTTGAGACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_4159 AB027757|Cicer arietinum mRNA for NADPH oxidoreductase homolog, partial cds

AGTTGGAGGCGATATGTTTAGTTTGTGTTGAATGCATTGGCTACCTATGGACGACTAATTGTGATTGGAATG  
ATCTCACAGTATCAAGGAGAAAACGGGTGGGAGCCATCAAATTACCCAGGACTTTGCGAGAAAATTCTAAAG  
AAGAGCCAACTATTGCTGGGTTCTTCTCGTACAATATGCTCACCTATGGCAGCAACATTTGAATACATTATT  
TAATCTCTTCTCCTCAGGCAAGCTGAAGGTTTTGGTGGATCCAAAAGATTTTTGGGCGTGCAGTCGGTCGTT  
GACGCGGTTGAATATCTGCATTGAGGCAAAAGTGTGGCAAGGTTGTTGTATGCATTGACCCAACCTTCATTG  
AACACAAATCAAAGCTGTGAACCTGAAATGCTTCTTCCACCGACCAAAGTCTGACTTTGGATTGTTCTGTACAA  
GAAGGGAGAAACCAAAGCCCAAGCCTTGCTGTAAAGTCTTTAAAACTCAAACTTTTGCAGGAAAAACCTCT  
TCAATGACCAATAAAATCCCATTTAAATAAATAAAAAAGGTTTCAAGGTGTACTGGAAGGTACAAAGCTCATT  
TATCCTTTGGTGGCTGCTGAGAAATCTCCAAAGCATGTTGTTGTAGGAATTATGTGATTGTCTATTTAAACT  
ATGGTAGGAATCGTAGTATTGAGCATCATTTGTATGCTGTCTTTTCTTTTCATTATTAATTTTTAGTTTTAATTT  
AAAGAGAATGGTTTGCATTTTCTTATATCAATAAGTTCGTTTAGGTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_4160 NM\_001125696|Arabidopsis thaliana OTU-like cysteine protease family protein  
(AT5G04250) mRNA, complete cds

AATTGTTCTTTTGTGATTTTTTTGTGATTTTTGATTTCTGTTGATGGGTTTTGTTTTGATCGTCTGCGCGACTTGT  
TATATTCCTTTTCTAATTTGTTGGGTTTGTGTTGATTTTACGAGTGGATGGCCTTGTTAAATTAGGGTTCTTCTC  
TGTTTGC GCGTGTCTTCTTTAGATAACTCATCTGTGATTGGTATTTACTTCTCTTGATCAATAAGCGAAGGATAA  
CAATCTTTACCTCATCCCCACGGATGGTTTGAGAAATTTAAGATTGCGAGCGGTTTTTCATCCAACCTCCCCACC  
TTGTGCGGTCAAATACAAGTGTGTTTTGTGAATTTTTAGTCGTTTACCTTTTCTTTAATCCTCCCCAACCTATC  
TATCTTACCCGGAATAAATGGTTTTTTCAGGCTTGAGTTTAAAAATGTGGATTTTTTCTGGGTGATGGTGTGTTTCC  
AGGAAATATTGGATTATTTAATTGTTATATAGTTTTCTAGGAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGGTAAAGAA  
TGATTGTCAATGTCAATTATCTTTTTTCCCTTTTTTATTTTCAGTTATATATCTATCCATTTGGGATATCCAGAAG  
GTCAAACAGATGTAGGAGTGCCCGAAGCTTATCTGTGTTATTACAGGGTTATGGCAACGTATGATATTGATC  
CTGATGTTATGAGATGGGGACTTCATCTTTTGGATGTTTGCACGTTTACAAATGACGGTTCTGGTAGTACTGTT  
ACTGAATATAGATTTGACCCGAGTTGTAGTCCAGTGAATATGTCATTGAAGGTTATTGT

>trans\_c\_4161 AJ437537|Oryza sativa partial mRNA for polyubiquitin-like protein (ub1 gene)

ATTGTACAGACAATTTCTTCAAACCCTAAACATGGGGAAGATTTCTATCTCGAAGCTTAGAGCTGCAAAACC  
ATCGACAATGTCTAAGCCAAAATTCAATCCATTACAAAGAAGGTTTCGTTTAATATTCATTTTGGGGATTGAAA

ATTGGAAATGAAATGTTAGCCATAAACAGGAATTCATCGGAATCCGAAGCCAGTGATTTTCGCTGGAAAGCA  
GCTTCAAGATGGCCGAACGCTATTGAATATTTACATTCAAAGAGATGTTATGCTGAGGGCTAGGAATTTGAGA  
AAGGTAAGGTGCGATCCTATCAGTTTGAGGAAGATCTGTAGATTGAAGTATTGTTGCATATAAGATGATTCTT  
GTTTCTCACCAAATACATCATCAAAGAGCTATCTATCTCACAAAGAGTGAGAATGTCTACTAAGTTTGTAGTAG  
ATTTCAACACTTTAATCTGCACATAGTAATCTAAAAAGTATTAAGGTGCTCTATTTGAAAACGTGCCTTGAGTA  
TTAAGGACAGTATATTTGTATATTCGTCCACATAAAATCTCATGGGAATGAAATTGCTTAGTGTCAAAAGTAA  
CCAACAAATGCCAACAAATGTCATAGAATTTGAGGACACAGGTTTACACCTTCCAAAACAAGAATTTTTTTAA  
GACATGGTGAAAGAAGAAGTAAGAGGTGTATGAAGACCAAATGAGCGTAATTAGATTATTCATTTTGTA  
ATTTGAAACTTGTGGAAAAATATGAAAAGGATTACAAAACCTTTATTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_4162 FJ664260|Annona cherimola pectinesterase (PE) mRNA, complete cds

GAAAACAGGGCTGAAATTTTCCAGGCCATAATAATTTATAAACAAGTTAGCATCACAGCAGAATATTCCTCTCC  
TTTCTCTTGCTACTGCATAATTCTTTGTTAATTGTAGCAACATTAAACAGAGGAAGAAAGAAAAATACAAGATG  
AAGAAAACCCCGATAAACGTGCTAAGAAAAATACTGGAGACGGGTGCAAATGGGATTTTTGCAAACCCAGAG  
CTCAACTGAAAGAATGTGTTGTGCATCATGACGGCAATTATTTATGGAGAAGCTGTGCTTTTGCCATCAGCCTT  
CCCACACAGGAGAGCATTATCTGGAACATTGTACTCATCCCTGAAGGACTTAACTGGTGTGTAACTCTAAGA  
TAAAATTGTTGCCCAAGGTATTGTCTTGCCCAAACTCTGACCTTATGTACCACATTCCAACATTGTCAAGTGAC  
ATATAAATGGCAGTCCATGACTTTGGGTATACCTGAGTGGTACACCGCGAACTGCATCTCGGAGATTGTATT  
GTTCTCTGCTAGCGGGTGTCCAACTCCTCCATCCATTCCAACAACCCAGAAGGAGTAACCATCAATATGCCAA  
CTCTGTACGATGTTCTCGTGGTTCTGGAAAACAATCTCAATAAAGGCTCTATAGTCAGCACCCATGACTGAGGT  
ATCAAGGAACATTGTCTTCCCAGAAGGAAAATCCGGGATACTTCCAATGCGAAAACTCCATCAATACTGAAG  
TAATCTGCAAGCTTAAGAGGTGTGTGTCAGCAGGAATGAAAGACACACTGTTAACAGCATATCTCTGCTTGCGAT  
TGA

>trans\_c\_4163 NM\_001073118|Oryza sativa Japonica Group Os12g0285600 (Os12g0285600)  
mRNA, complete cds

AAGGAACAATCTATCATAGACCGAAATCCACATCAGGTCCATGGATTTGTGCAAGACAATAGAACAGGAGAA  
AAGGTGGCACTTTTGGTGGGAAAGTGGGATGAGGCAATGTACTACGTGTTAGGAGACCCACCACAAAGCCT  
AAGGGATACGATCCAATGACAGAAGCTGTATTGCTATGGGAAAGAAACAGATCTGTAGCTAAAACAAGATAT  
AACCTCTCTCCTTTGCCATATCCTTGAATGAACTCACACCAGGTTTAATGGAGATACTGCCTCCAACCTGACTCA  
AGGCTTAGACCAGATCAAAGACATCTTGAAAATGGAGAATATGAGTTGGCAAATGCAGAGAAGTTAAGACTT  
GAACAGTTGCAGAGACAGGCTCGAAAGTTGCAGGAAAGAGGATGGCAACCTAGATGGTTTCAGAAGGATGA  
AGATGGGTGTTACCGTTATATAGGGGGTTATTGGGAAGCTAGAGACAAACATAATTGGGAGGAAATTCCTGA  
TATATTTGGCCAACCCACAACAGATCATCTCCTCCCATGTTTCAGGAGAAGAGTAAAGTCCTACCTTGCTCCATC  
CTACATTGTTTTAGTTAACTCTTCCCCCTTCCCCTCTTCTGTTTTTTTTTTGTTCCCATGATCTAAGTGGGAATT  
TTTGCTGTAGGTATTAGCTTAGCTTTCTCTCAAATTGTAGTATTAGCAGTAGTAATAGAAAGTCAAATATTCA  
ATACTGTATTTGGTTGGGTGTTGGGAAAGAAAAGAAAAACCATAAATCCATTGGGATTTGGGGCTGCAAATA  
TTTGATCAT

>trans\_c\_4164 AY105296|Zea mays PCO103628 mRNA sequence

AAGAAATCGTGAGAGAGAAGAAAAATATATATTATAGATATCATAGATCGTCCCCTTCAACTTGTAATCAAAA  
TTCACCCAGCCGAGCTCACCTACATTCAACATTGTAGCCAGTCGCTGTTTCATCCTAAAATTCATCGCCTTTTTT  
GTAGGAGCATGTCGGACGCTTACTGGAGATATACCGACTCACAGCAGCAGCCTCCGTCGTCGGTCCGCCCGT

CGTCGGCAAGCGCCCTCGCGTCGATTACGATACCACTGGTCTTCACGAGCTGCCCACTACTATCCACGTCAA  
GATGATAGGCCAGTTCTCCAAGGAATTAAGAGTGTGATTCCATCAATGAGTCCTATGAACGTTACCTACGCA  
CCTCGCAAATTTTCATCTTATGGTGGACAGTCTGCTAGACCTGTTGGTGGGGGCGTTCCTGGTCATCTGATGAAT  
GACCCACCTATCTTGGGCATTGGGGGTGTGGTTTCAGGGGCAAATGTTAATGACAGAAGTACGAGCTTTGGA  
GGTGGGAGGCCTAACATACCCCTTCCACCTGATGCTTCTAATACTACTATTTGTGGAAGGCTTGCCTTCCAGCTG  
TACCAGGCGTGAAGTAGCTCACATATTTGCCCCCTTTGTTGGCTACAAAGAAGTAAGACTTGTTAACAAGGAA  
TCCAGAAGTGCTGGAAGAGATCCAGTGGTGTGTTTGTAGATTTTGTGAGTCCTGCCCATGCAGCCACGG  
CCATGGATGCCTTACAAGGTTATAAATTCGATGAATTTGACCGTGAATCGGTCAATTTAAGGTTGCAATTTGCT  
CGCTT

>trans\_c\_4165 AY336743|Brassica rapa subsp. pekinensis calreticulin 3 mRNA, partial cds

ACCTCAGAATTTGTTTGTATTGACTTCCTTGACTCGCTTCACTAATGGAGGAGTTTACTCCTAATACCAATCTCC  
ACTTTCTTCTTCGATCAAGCTTTTCTTTCACTTCTACTCATCAATTCCATCTTCACTTTCCACACTGCTCTCTCT  
GAAATTTTCTTGAAGAGCGATTGGAAGATGGATGGAAGAGCCGTTGGGTCTTATCTGACTGGAAAAGAAGT  
GAAGGGAAAGCAGGGACTTTTAAGCACACCGCCGGAATGGGCTGGAGATCCAGATGACAAAGGCATTCA  
GACTTACAATGATGCTAAGCATTTTGCCATATCTGCAAAGATACCGGAGTTCTCCAACGAGAACAGAACTCTA  
GTGGTCCAGTATTCTATCAAATTCGAACAGAAGATTGAATGCGGTGGCGGGTACCTTAAGCTTCATTCTGGTT  
ATGTCAATCAGAAGAAATATGGTGGCGATACCCCTTACAGTATGATGTTTGGGCCAGATTTATGTGGTACACA  
GACGAAAAAACTCCATGCGATCCTTTCTTTCCAGGGGCAGAATTATCCATAAAGAAGGATTTGCAATGTGAA  
ACAGACAAGTTAACTCATTCTACACATTCTATTAGGCCCCGATGCTAGTTACAGTATACTTGTGATAATCGA  
GAAAGAGATTCTGGAAGCATGTACAGTATTGGGACATCCTGCCACCTAGGAAAATCAAAGATGTTAAGGCG  
AAAAAGCCTGCTGACTGGGATGACAGAGAATACATTGAAGATCCTAATGATGTTAAACCAGAGGGATATGAT  
TCAATC

>trans\_c\_4166 AY939869|Malus x domestica plastid alpha-amylase (AMY10) mRNA, complete cds;  
nuclear gene for plastid product

ATGGAAGAATAAATGGGAGAAATAACAAAGTAAAGAGAATATTATGCCTAGCCAAATTAAGAGAAACATTAC  
ATATCATAAGTACCACTCTTACCAGGCCATAAACCCAAGCCCTTTTATAGCTCCAATATATTGCCATCCTCACCA  
CAGTAGTCTAAAAGAGGCACCTTGAAATCTCTCCCTTTGTGCTGATACCAAATTCCAGTTTCTTCATCCTGCACT  
TCAAAACAAAATTTATAGCTGCAATTGTTTTGTCGGGAGCAAGGTCTATCTTCACTTCGTGAACGACATCTCCC  
GAAGAGGATGAGGATGATTTCTTCAATGGTGTCTCAATAGCATAATCTTTGATGGTTATTGAACCTGGTGGTA  
TCATTTCTTTAGGAGGTTGATCCCATTCGCTGCCACTATCGTCGATTAAGGACACCCCCCAATGAAGAATCCAT  
TTCCCAGCAAGGTTACATCCTACAGTAAGCTCCCATTTATTGTGGTCTTCCCCTGGGCTAGTTTGACAGAGAT  
CCTTCCCTCCAATCTCTCGTTGCGCTTGAGAGGAAAGGTCTCCTTGAACAAGACATCGGTAGATTGGAATGTA  
GGGGCATTAGTAGTGGTAGCTTTAAAGTAGGAAGTCTATAAGAATTGTAATGGACAAAGGTCTTTTCGGCCA  
TGACAAAGAAGCTTATTGGGACAGTAAGTAAAGGAACAAGGCTTGAGCATATTGAATCTAGGACGATGATGA  
AACCTGTGTTTGGCTTTAGCACAGTGCTAAAGGAGGGGATCGAGGGCAATCGACGACATGATCACACTGATG  
TGTGTT

>trans\_c\_4167 Novel Gene

ATCTCAGCAAGGGAGGGAGAAATGTGTCCCTGGATCATATGGAACCTGAAACTCCAATGGATGTCAAGCCTG  
TAATCATGGAGGGAGAATTTTCAGGCATCCAGGATGAACATGGAACCTCCAGAGGATCCTAGTAAAACCATGA  
CTGAAGGCTCCAGTAATCCTTCCATCGACCTGGATGAAGAAGACATAAATGAAACCACTGGAGACCTTACAA  
TTCGTTGCCCATGCGAATTGTCAATCATTCATCAAACGATGATGAGCAGGAACCTCTTGTTGAACTTGCTAATC

CTTCGGATACCGATATAGACATCCCCACTAACTTTGATTAGAAAGATGTCAAACAATTACTATCAACAATGGA  
GTGGCAGTTAGGACTTGTATAATTACAAAAAATGTCCATGACATAAGATTCAAGTGTGCACAGTGGTCATCTT  
TTACCGGGACGTCGCATGCTGGTCTCAGCTGACGTTAGAAGTTCTAACGATGTTGATATTGCAGCTCAAACT  
GTTTGTATTCACTGTCAAGTCAAGTTGTTAGGGGATACAGGTTGAGTTCTTCCATCAGTGTATGATCTGAGTGA  
TTCATTTGGTAGGGTTACTCTTGATTCAATTTTATTGGAAGGTCTGCTTCCATAATTTATCTGTCATAATGATGA  
AGGGATCAAATGCTTGTGGTGTGTTGTATCTTAAGATAGACCTTTTGTGTTGCTTCTAATTGACAGTATTATATAC  
AATGACCTGAGCAGTTGCTAATAGAATAAATTTGCACATTACGAATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_4168 AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete  
sequence

CAACTATTATTTCCACAGGAAGGTCTGTCCATTTTACCAGATACTCGTGTATTCTTCGTGTAAGTCTTCTGTCC  
TTTGTCTCTCGTTCAAGTCAAAATTCCTTCTACATCTTTGTCTTTTTGTGCGATTAAAGGTTGATGATTAGGCGAATTA  
CGACATTTTGTGCAAGTCTTCAGCATCTTGATGGTAGGGTCTCAAGTTACTCACATGAATTACTGGGTAGATT  
TTCATCCGTGTGGGTAACGCTACTTCATAAGATATATTTCACTACCCTTTTTCAGCATTTCTACTGGTCCTTTGTATT  
TTCTGACGAGGTGCTGATCTTAGCATCTCCGTAATCTGATATGTTATGGTTCGTAGTTAACGAGTACTTGGTCT  
TCTGTCTGAACTCAAGGGGCCATCGCTTTTTATCTGTCCACATCCGCCTTGAGGCTTTCTCTAAGTACGCTCG  
GGTGATGTCTATTGTCTGTTTTCACTCCTTGGTAGAATTGTGGGTTTGGGGTTCTTCCCTACATTGGGATGATT  
GACAAGGTGTGACAATACAGGTTGTCTACCAGAAACAATCTCAAATAGCCCCTAGTGGACACTAATCTGAACG  
TTGAAACAGAATTGGGCTACATAACAAGTTGGACCTAATTTTTTTGTCTTGCGTTTGCAAATGACTTAAATA  
TTCCTCGAGCAATAGTTGAATCGCTCGATCTGATCGTCAATTTGGGGTGATAGCTTGACGATATGTTTAGGCTC  
GTCTCTTAAAGGTAAATAACTCTATTCGGAAGGAATCAATAAGTTTTCCATTCTGTCACTCACTATG

>trans\_c\_4169 DQ457404|Brassica rapa subsp. pekinensis caffeoyl-CoA 3-O-methyltransferase  
mRNA, complete cds

ATGAAGGACAGTTTTTAAACATGTTGTTGAAGTTAATAAATGCCAACAAGACGATGGACATTGGAGTTTATAC  
TGGGTATTTCGCTTCTGGCTACAGCCCTAGCTCTTCTGAAAGATGGAACGATTCTGGCTATGGATTAATAGA  
GAAAATTATGAGTTGGGTTTGCCGGTGATTGAAAAGGCCGGCGTTGCTCATAAAATCGAGTTCAAAGAAGGA  
CCTGCTCTCCAGTTCTTGACCACATGGTTGCCGATAAGAAGAATCATGGAAGTTATGACTTCATATTTGTGGA  
TGCTGATAAAGACAACACTACATAAATTACCATAAAAGATTGATCGATCTACTTAAAGTTGGAGGAGTGATCGGA  
TATGACAACACTCTATGGAACGGATCAGTGGTTGCTCCACCTGATGCACCCATGCGCAAGTATGTTAGGTATT  
ACAGGGACTTTGTGTTGGAGCTCAACAAAGCTCTTGCTGCTGACCCTAGGATTGAGATTTGTATGCTCCCCGT  
GGTGATGGAATCACTCTTGCCGTCAAATCAGCTAAACATCCTAATATTCCTCGCACTCCTACATACACGATCA  
CTCTTCTTCATTGTTTGTAAGGAAGGATCTCGCTTGAATTTGACCCTCTTTTTACGATTCGATCTTTCGTTTT  
CTTTTCTAATATCAATCAATTTCTTTTGGAAAGTTTTCTATGCAATTCAAATTGAACATTTTAATGAATAATATT  
GTTTTTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_4170 NM\_001068780|Oryza sativa Japonica Group Os08g0517700 (Os08g0517700)  
mRNA, complete cds

ACACACCTTTTCCCCCTTTTCTCCCTATTTCCATTCCCTTTCCCTCCAACCTTCAACACTTCTCTCTCTCTCCG  
GCTCCGGCTCCGGCGACTCCTCCTTCCACACGTCGATCCCCGATTTCACTTATGGGTGCGGGGAGAGGACAC  
GGAAAGGGCGGTGAGAAGAATTACTTTGACTAAACCGGTTTCGTTGGAGGCAGGGTCAGATGCGGCCGAGT  
ATAAAGCTCCTAACCTACTCAGTCGCATCCTAAGCCTCTTTAAAGATGTACGGCCAGGATCTGATCTATCTCAC

TTCAAGGTACCCCCACAGTTCAACATGCCAAAATCACAACCTCAATGTTATGGTGAATCTGTGTATTGCTTCAA  
TGAAGACATGTTAAGGAAGTGCAACAATGGGAAGAACCCAATAGACAGATTTGTGGCTGTTGTAGCATGGAA  
CATTTCTACTCTTCGTCCTTTAACTTTTGGTATTTCTCCTTTCAACCCAATTCTTGGAGAGACCCATCATGCTTCA  
GCAGGCTCCCTAAATGTTCTACTTGAGCAGGTTTCACATCATCCACCAGTGAGTGCCTCCATGCTACTGATGA  
AAAGGAAAACCTTGAAATGATATGGTGTGAGCAGCCTATTGCCAAATTTTATGGTACATCTGTGGAGGTGGA  
AGTAAGGGGAAAGAGAGAGCTGAGACTTTCAAATCATAGAGAACTTACGTTATGAATGCCCCAAATCTGAT  
GTTCAAATTCCTTCCAACACCTGGGGCTGAATGGAGTGGTAATCTCAGAATTGCTTNGCATGACAGTGGTCTT  
GA

>trans\_c\_4171 Novel Gene

TTTTATTATTATTATTATTATTATTATTAGTTTAATTAGTTTATTTATTTGTCCATCTCTTCTCTTACTCTCTATCT  
AGATTTCTCAGAAGAGGTGTCTGTTCCGGAGATTGATTTAATCGGCGATCTTTACCACTGCTCCTCGTGAAT  
CAGACTCCTCTTCTCCTTCTCTCCCTACAATATAATGTTCCAGATTTTCAAGGTACATCTTTCTTTTTTAACGCA  
TAATTTCTTTTATTTTACACCTTTCAAATTTGCAATTATTACATAATAATCAAATAACAAACACCATTTTTT  
TTCTTCCCCTTTCCTTAGAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTGCGAGTGTCCGGGTTTTTGT  
TTGTAATTTTACTTAGTTGTACATACTAAGATCTTCTATTTTAGATAGTTTGTAGAAAAGAAAAAGAAAACAAT  
TGATTAATTTGGGTGTCCCCAGGTAGCGCCTGCAGTCATTAAATTATCTTCCCCTTTTAGTCCTTAATATTCGG  
AAAAGAATTTGAGATTGTTCTTTGATTATTTCTTCTGCTTTGTCTGAATTTGAATTAATACAGTACCCATTCATAT  
TTTGCTTAAATTAATGGGGGATTCTCCCTCTTTTATTCTTTTAAATAAACATAGTAGTTTGTATATGTTTA  
CGAATTTCAAATATTTTAAATTAGAAATATAGAATATTAGATGATAATGGTGTGGGGTGTGTTGGCCTTGGCT  
TCTCTGCATCATTGACTGAGGTCTTTAGACTGTTTGAAGAGATTCTGAGCTCTA

>trans\_c\_4172 XM\_002864786|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2759, mRNA

TGCTAATATTTGTTCCCCTGTACCTGGTGGTCAATGTGTCTTACGGGGCTGAAGTTTCGAGAGAGTTGACTCCT  
CTTTGGATTTTGGGGCCGTTACTGACTGCTTTATACGTCACAACTGTTTCAATGGATTTGTGCGCTCTATGTCTT  
CAGCTTTAAGCAGACGGCTAACTAATAATGAACTCCCCCTTACTACTGGACAGTGCATCACTATATCATAC  
AAGGGAACTTAAAGAACAGTTTCGTAACCTCGTTTTGTGCAACCTATAATCAACATTAAGAATCTAGACTACAA  
AGAACTATCAAAAAGAAAGCTGATACAGTTAAGAGAGCGCGCTATGGAGAAATACCTTGACTATGTGGAATC  
AACTTGCCATACTACTGCAGAGCAATCAGGTTCTTAAAGAGAGCTAATCTGCTTTAGACTACTGATTGTATTT  
TGAGGCAAATCTTGACCAAGAACAAAGGCTAGATCCCGTTTCTTCTCCCGTTATCTAACATGCATGATTTGTC  
GTTAAAGCAGGGCTGGCCGACCACTTTTAAATGTGGGATTCTTGGTGTTTAATGAGTTGATGAAGGATCAGAAC  
AACTTGAGTTTTCCGATTTTTGTTAATGTTGTGATGAGGATGTAATTTTCGTAACCCTTCGTGTCCTTTTAAATG  
GAAGAGGTCCACATTCATTTGCATTTTCTTGTTATCATGATGTATGTGTAAGCATTATCAACTTGAATGTTAG  
CAATCAGTTATTTGATATATTGTTTTGCTTAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4173 Novel Gene

CGTGTGTGAGCTTTTCTTTTCTTTTCTACTTTAGCGGTTGGAGAAGGAGAGTTTTTTTATACTCGCAGCTGA  
GTTCAAACCTTCAGATTATCTTTTGAATTGATAACCGTTTGGCCCTTTTACATCTTTAAGAGACTTGGAAGAG  
TGTGGCTTTCAGGTAGGCCAGTTGGAGAAGTTGAGTAGGTGAATTGGGGACCTCGGGATGCATAGTAGAGG  
TATGGTGAAGCATGGAAACAAATCAAAGGCGTGGTACAGACAGCAGACAATCTCGGTTCTCATTGTGTCTGCT  
TTTCTTATCCTTTTGTGTTGATGATGTTATTTGCAAGGAGTCTCAAGAGCGTGATATTTAGTTGAGGTGACT  
CCGAAGCAGAAGTGGGATAGCTTTAACTCTCTTGTGCAATTTAATCCAAATAGAGAGTTTCGCAATGGAAGT  
ATATAATATCGCAAATCCCGATTCTCAAAGTCTGTTTTGTTTTTGTCTCATGGCTGCAATGCTAAAGCTGTCA  
ACTTTTGGGACAGATCTCCTGAGTGTCTTCTTGTGTGCGTCTGCCTGAACAACGGTTGATTGTCCTTCATGCTC

TCAGCAAACGTTTTGCAGTTCTTACAATATCAAGTTCTCAGAAATGTTGGACATTGGGGGAGGAATTGGCAGT  
TGTTAAAGACATAATACGTTGGTGGGTTGGAAAGAACAACTTGAGAACTTCCTCTTGTTGGTTTAGGTGCC  
TCCTCTGGTGGGTATTTTCTTTCAGTACTTGCCACTAAGTTGAAATTTGATAGCATTACTTTGATGATTGCTG

>trans\_c\_4174 AY132011|Arabidopsis thaliana At1g04870/F13M7\_12 mRNA, complete cds

ATTGGGACAGCAGCCGTTATAAAGGACATTGATTGTTTACTGCTACTGTCGATGAGATTCTGAAGTGAAAT  
CAAGCTTTTTGTCAATCAACTCAGAGAACACACGATTTTGTGGATATGGTGGATGGTTTGATGTCCATTTT  
CGAGGAAGAAACGAGGATCCAGCTCAATTAGAGATTGAGCTGACAACTGCTCCCAGCGTTAGTAATGGCACA  
CACTGGGGACAACAGGTCTTCTCTTGCATCCTCCATTTGGGTGAGTGAAGGAGATGAATTGAAGGTTTCCT  
TCTTTATGAAGCGCTCCAAAGAAAATCATCGGCTAATGGAGGTTGAGTTTGGCTGTGAAATCAACCAACCTTC  
TGGCAAGCTGCATCAACAACCATTCACAAATAAGTTTTACATTGAGTGAAGATGAAATAGTTACAGAAGAATA  
TACATACAAGTAGTAGATGAGGTGTGCAAGCTGCCGACTGCTTTTTTGAGAGAGGGTGGAAGTAAAGAAAAG  
GAAGCAGCACCTGAATTTTACTCTGATCGGATTACTAACGACTCCGACACGACTTCTACTTTTGATAACTAG  
TATTGTACTTTGCTGTTGTAATAAGACTTGATCATTTGCACTCTTGATGTGTAAACATTTTATACACAAGGCA  
TTGATGTTCTGTTAATGGGGGAATATAAAGATAGAAGGGTAACTGTTGTCCAATTCTTGATGAAAATTAGT  
GTAATTTTGAATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_4175 AF428357|Arabidopsis thaliana At1g74450/F1M20\_13 mRNA, complete cds

ATTAGAGATGGGATTGAGCAGTTGAGGCAGTGGCAGAAGTTGTTGGAGATTGTGCTTAGTGCTTTGGATAAT  
TCTAGTCACAAGAAGATTCTTGGCGAGGGCCAATTCGCCGTGCGAAGAAGGCTTTGATTGACTTAGCCATTG  
CAATGCTCGACGAAAATGATGCCAATTCTCCGGCTATTGCTCAGAGAAACCGTTCATTTGGACGTAATAACGG  
TACCAGAGACCGTAGGTCTTTGGGGCATTTCCGTTGCTTTTATGGAGTGTTTCGCGTTCCTGGTCAGCCGCTA  
GGCAGCTACAGGCAATTGGGAGCAATTTGGCTGCTCCGAGAGCGAATGAGATTGTGCTTACGAATGGGCTTG  
CAGTCCCTGTATTACCATGAACATGGTATTGCTGTTTGTAACTGGGCTTTGATAGCGGCGATTCTTGCCAG  
GACCGTGGCTTACATGTTCAATTTTCGTTCCAGACAGTTCTCATGGGCGGCGCCAATGCTTTCTCTTCACGAT  
CGGATTTTGAAGAATCGAGACGGCGGGAAAGAAGAAATGCATGTGGGTTGTTGAAGGAGATTCATCAGAT  
TGATAAATTTGCGCATATTATGAATGAATTGGCTGATACAGCACAATTCCTTTGACAAACGAAAGGGAAGAA  
GAGGTGAGGCGAAGAGTGAGGAGCTATCTCAGATTTGTGAAACATTGAAGATTGGCTTGGATCCTCTGGAA  
CATCAAATTAGAGAGGTGTTTCATCGAATTGTGCGCTCAAGAACTGAAGGGCTTGATTGTTTAGGACGAGGA  
AATACCCATG

>trans\_c\_4176 AJ309069|Sesbania rostrata mRNA for lipoxygenase

ATGTAATTTACCCTCTCGGCTTTTAGATTAGTTTTCTTGACCAATCTTCAAACAGCCTCGTTGCTTTCTTTG  
GAGCGTTTGTTTCTTCAATGTTCAAATGAAAATCAATTCAGTAAACTCTTTAGATTGAGACAAAATCAGAT  
AAAATATTATAGTCAGGGAAGAAGACAAAAGTTTTCCACAAAACTATAACGAAAACATGAAAACAAAA  
CAAACCCAGAAGCGGAAAACGCATAGAACGTCCATAAATTGGAAAAAAGAACACAAATAAACAAAAAAGAA  
GGGAAAAATGACTCACTTGGGTCAATCTCGGTGCTGATGAGTTGGAGAACAACGTTCTGGCCAATCCTATCAG  
TGAGAGCATCAAATGCTTAACAATAGTTTCTTAATGTCTTCCTTGTTCTTGTGTTTCTGATAGTTACAACGGCTC  
TGACCTTGACTTAACCGGCTTCTCGTCCAAGGGGACAACCTTGACTAAATCCTCACTGATAGCAGCCACAGG  
GCTGTTACAGCCTTCCTAATTGTGCAACCACCTGCCTTTTCGCTACTGGAACCAACCAATTGGCCTGAAGA  
ATTGCTTACCTTGAAACTGAGAAGAAACAGAGGATGTTTTGTGAAGAAAAGATGATCCAATAATTTCAATTCG  
TAGTGCCATCCAGTTTTCTTCCCTTATTCCTTGGAAGTGGGAAGTTGATTTCTTTGTAGAGATGGGAAAAA

ATGAAGGTTGGAAGAGAAAGTGTTAGAGGGAAAAATAGATTGGTTGGGAAACCACCGGGTCCCGCCTCGG  
TTTTC

>trans\_c\_4177 NM\_001063524|Oryza sativa Japonica Group Os06g0183900 (Os06g0183900)  
mRNA, complete cds

AGAGACAAACACACCTAAACTCTTCTCTCGACCACGCATCACAGAGAAGACCACCACGTTGGCCGCGCATCA  
TCTTCTCGTCGTACATCGGCTCCAGCTCCCTTCACCGTCATGACTCCACCTGTGACCAAGCACCTACCAACGTGA  
CTTCGCCCCGTGACCACTGGAGGACTACCGCAAACCTCCGGCCAAAACCCAGAGGACCTGAAGTTCTCTCTTCT  
CACTGAAACACTCGCCTTAAGGGTTGCATCATTGTCTTCTACTTTACCCTCAATGGGAAACCCCTTCTCGGTTT  
CACTACGTTTTCTTATTCTCTCTTTTTTACCTTAATCTTAAGAACCAGGGTCCTTAGAGGTGGTGGCGATGG  
CGGTGCAACAGGGGCTGAGTCGCATGACTGCTACCTTAGTATGTACGCAGAGAAGAAACCCGTTAAGGCCGA  
CCCTGACGAGCAGAGGTTGTCCAAGTGGGTGAATTGTGCACTTTCTAACGAGCCTTTGAGGTAACCTTGTGTG  
ATTGATTGGCTTGGAAATGTTTTCAATAAGGAATTGCTTGTCTGGCTTTGTTTCAATATTCACCTCATCTAGGA  
AGTCAGACTTCAAGGAAACATTTTCTGTAGATTTCTTCACTCGGTCGAAACTGATTGGTGGTAAGAACTGCT  
TAGATGGGTTTGTGGCAATTCTTCTATTATTGTTTGTATTGAACTTCATTTTCAGCGACCTTCTGTGCTTATTG  
ATTTATGTCTCATAGTTTCTAATTAATGTAAGAATGTAGTTTACACTTTACAGTCACCAACTGATNGTAC

>trans\_c\_4178 XM\_002883491|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal peptidase I family protein,  
mRNA

TATACAGATGAAGATGTCTTCATTAAAAGAGTTGTTGCTAAAGAAGGTGATACTGTAGAGGTTTCGGAAGGGA  
AAACTTATCGTTAATGGGGTTGAGAGAGGCGAAAAATTTATCCTTGAACCACCATCATATGATATGACTCCAG  
TTCAAGTGCCAGAAAACCTCAGTCTTCGTGATGGGTGATAATCGCAATAACAGCTATGATTCTCATGTTTGGGG  
TCCTCTTCCTGCCAAGAATATAATAGGGAGATCATTATTCGCTATTGGCCTCCTAACAGAATCGGTGGAACAG  
TTTCTGAGCCGAGCTGTGCTATTGATAAGGAAGAGAGCATTCTTCCACACCAGAAATTTCCAGCCTACAGAC  
CACAAATTCTCAACCATAACGGTTTGGGTCATGTTCTGTAAAGTTCAGTTCGTCCCTCTGCAAATGCCTTTATGG  
TCACCATTTGTTACCTTATTATTGCAAGCTCTTTTTATTTGTAGTTTGAGGAACTGGCCATTTTGTGTAAGGCC  
CTAGATATTATTGGTCTTGGTTTTTGCAAGTTACTAGTTGACTCAACACCATCAATTATCTGTAATTTGAACTTC  
AGTCCCGTCTCTCTTATGCGTCAACCACAGTTGAAAGATCTGAAGATTCTGAACTAGTGACATTGTCATTCTTA  
GTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCGAAACTTTACCAACCCGCCAAC  
CCCG

>trans\_c\_4179 EF530144|Actinidia deliciosa cysteine protease Cp4 mRNA, complete cds

ATACCCATCTCTTCTCTCTCCCAAATCCCACAAAACATGGCGATTTCTTCACCCATTTTCTTCGCTTTTCTTGCCC  
TTTTCTCTGTCTTTCCCTTTTTTTCATCCGCTTCCCATTCATCCACCTTCTCCATCATTGATGAAAACGCTAAACAC  
CACTTGGGTATCCCTGAAATTCCCATTCGATGCCATCAACGCACCGACGAGGAAGTTGCCGCTTTGTACGA  
GTCCTGGTTGGTCCATCATGGAAAAGCCTACAATGCTCTTGGTGAGAAGGAGAGACGGTTTGAGATTTTAAAG  
GATAATCTCATGTTTATTGATGAACATAACCGGGAATCGCGGACGTATAAAGTTGGATTAACCCGTTTTGCTG  
ATCTTACCAATGAGGAATATCGGGCAAGGTTTTTGGGTGGCCGATTCTCCCGAAGCCTAGCTTATCCGCCGC  
CAAGAGCGGAAGGTACGCGGCGGCGCTCGGTGATGATCTTCCGGATGATGTCGATTGGAGAAAAAAGGGCG  
CTGTTGCTAATGTTAAAGATCAAGGACAGTGTGGGAGCTGTTGGGCTTTCTCAACAGTTGCTGCAGTGGAAG  
GAATAAACCAAATTGTCACTGGCGAATTGATCTCTCTGTGAGAGCAGGAACCTGTGGATTGTGACAAATCATT  
TAACATGGGTTGCAATGGTGGTCTTATGGACTATGCTTTCAGTTCATCATTGACAATGGTGGAAATTGACACC

GACGAAGATTACCCTTACAAGGGACGAGATGGCGCTTGCATCCCAATCGGAAAAATGCCAAGGTTGTAACC  
AT

>trans\_c\_4180 NM\_120866|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT5G07840) mRNA,  
complete cds

AGAGAAATCAGAGGGAGTCCAATCAAATTGTAGTGTTTCATTCTTCCCTCGCATCAATACCGCTCTGGCGCTCT  
TATTGTTTTAGGCCTTCCAAAAGGAAAAAAAAAAGAAGTCCCTTTCTTCCTTCTTAGGGTTTGAACAATC  
CGGTCGACTACTGCTCTTCTGTGTCATGTTTCCTTTGAGTTCTGTCCGTTCAAATCAGGCTTTCTTTAATCACCA  
CCGCCGATTTTTCCCTTCAACCATTTGTCTAATTGGAATCCGAAGCCCCATTTGTTGTTTCTTCAAATTTCCCTT  
TTGCATCATCATTCAATCGATTAGGCTTTTTCATCAATTATGATTACAATCTTTAAGCCCTTATGACATTCATCG  
TAATCGTTCACAATCTTCGTGTTTTTGGTCCTGGATTGAATCCCTTGCACCCTACTGCGTGGCTCATCATTTTGT  
TGCTGTTTCTCGCTAATTCTCTTCCCTTCAGTTTTCCCTCCCCATCTTCCTTAATTTTACTTTGTTATTCCCTTT  
GAATCATGTAATTCTTCTGTCTTTTTGGGTTCTGGTTTTCTGTGCATAGAAACAAGTTTTGGTTTTTTGTCATA  
CAAGGGAGATTTTGTCTTGGTTGTGATTTTACGAAGCGAGGCTGTGTTCTAGGTGATTGACTGAAGGGGAA  
TTTAAGAACATGCCTCAGGAACAGAGGAGCCCGATTAGTCGAAGCCTTCCAGAAGGCGTTCCTCCGATATG  
AAGTATTCAATACGGATGATAGGGGATGGACTTCTCTCCACATTCAATGAAAACCA

>trans\_c\_4181 FJ560707|Glycine max transcription factor MYB884 mRNA, complete cds

AAGAAGATAGATAGAAAACGAGATACCCTATCTCCTTGCACGTACGATTCGAAATTCCTCTACACAATTACAT  
AACTCTCTTCTCTCTTAATCTTCGGTTTTCTTGATTTTTTCCCTCTCTCTCTCGATCAACCCATTGTTGGTT  
GTTGGAGTGTGAAAATAAGCTGCGTTGAATAACTCCAGTACTGTCTTTTCAAGTTGATTTTACCATTTTCACTT  
GCTGAGTCAACTCGGCCTTCACTTGATTCTATGTTTATGTATTTAGTTGCATGTGGTGGATTTTCCATGGAAAC  
AGAGGTTGGAATTGTGGAGAATGAAAGGAAGATTGTTGAAAGCGGGGCTGCTGAGGATGGCTCCACTCTGT  
CCCCAAATCAGATTGCTGACCCAGTTGTGTACAACTTGTGAGGGTTAAAGGTACCGTCGTTCTCATAGAGAT  
GTCAATTGATGAAGGTTGATGGTGATGGCAGATTTGTTCCCTGCCACAGATGATGAGGTAATGGAGGTTGAGG  
ATTTACTTGAAGACGACAAGAATGAAAAAGTGAAGATGCTGGACAGATAGTAGGATGCAAACCCACAGAA  
GACACTTTATTTGGGAAGCCTCATGTAGAAGTCTGAATGGTTGCCTTTTTCTTCTTTTTTCTCTCTTTTCTTT  
GCTATTATAATTACTCCTTAGTGTGTTCCCTCTAGGATAGGATGTTTATTCAGTGCTTCCAATCTTCAAAGTGTG  
ATTTTTATGTCGAGTGGGTTTAAATTGTGATTATAAGAGACTAGTTACCTATGTTTTCATTTTTATTTT

>trans\_c\_4182 NM\_123003|Arabidopsis thaliana CCB3 (COFACTOR ASSEMBLY, COMPLEX C (B6F),)  
(CCB3) mRNA, complete cds

ATTGATGATAAAGGGATAGCCTTCTCATTCTCTCCAGCGGAGCTCCTCTGTGAAACCCATGGCCGCCACCGC  
TGCCTGCTCCTCTCTCAGCTCCATTCGAAGAGGCTTCAAGTACCATCCTCAAAGAAATCCAACTACAAATTCC  
AAGCAATCAAATGTAGCTCATCTTTGTTGGGTTCTTTTACCTCTTCCAAGATTCTTCCGTCAGTGGCCTATGTCA  
TCCCTCCATTAAAGCCAGCTGCTGCTTACGAAGCTGCAAGGACTATCCCCTTGCCTTGCAAGATGCATCAATG  
GCTGCCTCTGATTTTGTGAACAGTATGACCTTGGCTGACCTCGACCCAGGAACGGCAAAGCTTGCATCAGCT  
TTCTGGGGCCGCTCTCTCGGTGTTTTGTTTTGTTTATTGCTAGAATAGTAATGTCTTGGTATCCCAAGTTGC  
CAGTGGGGAAGTTTCCATATGTTATAGCTTATGCCCCACTGAACCACTTCTAATTGCAACAAGGAAGGTGAT  
CCCTCCTCTCGGCGGAGTTGACGTAACACCAGTTGTCTGGTTCGGATTGGTTAGTTTCTCAACGAGATATTGC  
TCGGTCCCCAAGGGCTGCTTGTCTCCTTTCTCAACAAGTCAGCTAAATCTTGATGAGAATGCTTCAGAGAAAC  
ATTCTTTTGTTTTTTAGTTCTGTATATGCAACTGATCTTCTTAGCTGAACCTCTTGGTTCCAAAAGGCAAAGGA  
TGTGAGAACTTGAAATCTTAATGAAAGAAAATTTCCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_4183 EU548502|Arabidopsis thaliana isolate CS6626 miR157b primary transcript (miR157b) gene, complete sequence

AATAGGCTCTCAATTAATCATTCTTTCTCTCTTTCTTTCAACAAATATCTCTTTTCTTTCTCTTTATTCTCTCTT  
TTTTCTTTTCTTATTTATTTATTTAGAAATTATTGGATTATTTTTTCCATTTCTGTTTCCCTAAAATGAAGTTTAA  
TTTTGTTGGGGGGCAAAGAAGGAACATATGTGATATATGTTGTTGACAGAAGATAGAGAGCACAGATGATG  
ATATGCAAAAATTTTCATCAATCATTATTATTAATATCATTCTTTGTTTTTTAGGGTTTAGAACTTTAGAGAGAGA  
CATTATTATCCTTATCACTATGCATTTCACTCCATTTGTGCTCTCTATGCTTCTGTCATCACTCTTTCACCCCTTC  
CTTTTATATACCCCATCCCTTCACTACTTTTAATTTACTTATATTTTTCTAATCTCCTTCCCATTCTAATCACTTCT  
AATTTATAAATCTTCTACATATATACAGCCCTAAGAAATGTGTTGATTTTTCTATGTGTTAGGTGCTTTGTGCA  
GCAGTTCAAACAGCCTAGGGCAAGGGAGGATGAGAAGAATTATTAAGAAATATGCTTAGACGTTGAGGTATT  
CGGATGCGTCTACTCATCCTCGTATTCTTGTTTCTTTAATTGGAACTAATGAAATTATGATGAAGGGGTTGA  
AGATATATGATAATTACCAATTAAGATGCCTATATGCCAATGAGATATTAAGAGAGTAAAGTGAATATTCCTCA  
AAGAGGGGGGAAATGAGGCTCACAACCTGCCACTTGTTTGATTCAATTATATTTGTG

>trans\_c\_4184 NM\_127816|Arabidopsis thaliana UCP5 (UNCOUPLING PROTEIN 5); binding (UCP5) mRNA, complete cds

AATCAAACCATTATTTGTTTGCGTAATACAGAGTCCTCTGTTAGCATATGTCTCATAGACCCATCGTTCCTCATT  
ATTCCTCCATTGCCTTCCATCTTCATTCCCATCTCTTGTTTCTAGTGAGATGAACTCTAATTCCAACCTGGTCTTT  
TTAATCCCTATTTTCTCTGTCTTTTCCGTTTCCCATATCAGATCTCTCCATATTTCTCTCTCTTTCCGATTCTCTTC  
TTTCTTTCCCGAGAAAATCTCCACTCCTCAACAATGGGTGTCAAGGGATTGTGCGAAGGTGGAATTGCTTCCAT  
CGTTGCCGTTGTTCCACCCACCCGCTTGATCTAATCAAGGTCCGAATGCAACTTCAGGGTGAGACCCCTGCTC  
CCACCGCTGCGGTTAATAACCTCCGCCCTGCTCTCGCTTTTCAAACCACCTCTGTAAGTCTCCGAGGTCTATTA  
ATATTCTCCCCCGCCGCTCCGACGGCGCGTGTGGTCCAATCGCTGTTGGAGTTCGTATTGTGCAGCAGGA  
AGGAGTCGCCGCTCTTTTCTCTGGCGTTTCCGCCACCGTTCTACGACAGACTCTGTACTCCACTACCCGTATGG  
GGCTTTACGATATTCTAAACAAAAATGGACCGATCAGGATACCGGAAAAATGCCGCTCATTCGGAAGATATC  
GGCCGTTTGATCGCCGGTGCGGTAGGTGCTGCAGTTGGCAACCCGGCTGATGTAGCGATGGTCCGAATGCA  
AGCCGACGGACGGCTACCATTGGCGCAGCGTCGGAATTACAAAAGCGTGGTTCGACGCCATAACCC

>trans\_c\_4185 XM\_002328851|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit (CHC904), mRNA

ATATGTTGTCAATGAAGCATTGCAATCACCAGCTAATTGTTATGGCTTGGCTTGGACTAAAGAGCAATGTTTTG  
TGGAATTCACATACCATGTGCACTAATGAATCATTGGCATGGCATTGAAACCATCAGGTGTTTGCTACTAACT  
AAAGGGTGTCTACATGTATCTTAGCAAGCTAATCCAATGAAGCTCCCATCAAAAATTGGCAATCCATAGCAA  
CTCAATAAGATCCCAGTCATGTACTTCCAGGTGCATCACTCCCTGTTGCTGGTTTTCGATTTATATACCGGATCA  
CAGCATCTTCAACCCATGGTTGATTGAAGAAATCTGATCGTCGCTCCTTTTCAGCATTTGACTAGCTTCTCCTG  
CAAGAAGTTTTAGATCCTTGCTTTGAGATTCAATCAAGGCATCAATAAACTCCACTGGTGACTGACTGAACCCA  
AGGAAAAATGCACGTCTCCGGCGATGCTCGTGAATTTTCTTATAGCTGTACAAATTGCTTCATCACATGCATC  
AATCTCCTTGTTCTTCTCTGCATTGGCTAATAGAGCAGACAATTCCCGGTGAATTGGGAAAGGCACATCAACCA  
ACACATCGTAGCATGCTGTACCTGCTGGACTATTCCCTGAAAGCTTAACCTTATGTTCCAGATGTATAGGCTGT  
GGAGGAAACAAGTGTTGTGATATTCTCTGTGATACCATGGTGAATTTCAATTTGTCTTACCAAATACCTTCTG  
GAGAGGTGGATCACAATGAAAGAAAGATGGATCATTGGGATTCTGAAGTTTCCTAGCCTTTACATAAT

>trans\_c\_4186 XM\_002514988|Ricinus communis photosystem II core complex proteins psbY, chloroplast precursor, mRNA

GCTCTCATTTCCCCAAATCCTCTCTCAAATTTCCCAAACCTCTCTTCTTCATCCATCACAACCCTAATTCCTATT  
CCTTCCACACCAATTTCTTCACTCTCCTTCAATGGCGGCAACAATGGCGACCATGGCTATCCTCAACGCCAAAT  
GCTTCACCCCCATTAATAAAACCCAGTACTTCTCCCTTCAAACCCACCAAACCCATCTCCCTCCCTTTCCCTAT  
CCCAACCAAACCTTCCCTCGCCGGTACCGCCATCGCCGGAGCAATCTTCTCAACACTGAGCTCCGGAGACGCT  
GCTTTCGCTGCCAACAGATCGCCGATTTAGCCGAAGGCGACAACCGGGGACTGGCCCTTTTGCTGCCGCTCA  
TCCCGGCGGTGGCTTGGGTTCTGTTCAACATTCTTCAAGCCGGCGTTGAATCAGATTAATCGGATGCGTACGGA  
GAAGGCGGTGATTGTTGGGTTGGGTCTGGGTGGGTTGCTGGCATCGGGGCTGGTGGGGACGCCGGAGGCTA  
TGGCCGCGGAGGCTTCGAACGACTCGCGAGGACAGTTGCTGTTGATTGTGGTGGCGCCGGCGATTGCTTGGG  
TTTTGTATAATATTTTACAACCGGCGTTGAACAGCTGAACCGGATGAGATCGGAGTGAAAATGGTGATTAGC  
TGATGAACCTTAAATTACTTGTAATTTTAAATGCAATTCTCTCTTCTGCTTTATAAATGAAGCGTTGGAGTCTTA  
TGCCCAAACCTTAAAGATTTTTTTTTGGGTCTTTTCTAAGTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4187 XM\_002881926|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CHL-CPN10, mRNA

AAATAAAATAGATGATGGGTTTAGGGTTTAGAAATGTATAGAACATTCTAGATTGATAATCCATTTTATCGTTA  
CGCAATCTCTACCCATCTCTTCCACTTGGACGGGTTTAACAGTATTTTCATTTCCGTTTCCATTGCCTCTGCAGCT  
TATTCCAAACCTCGCGCTCCGCCGTTTAGCTCACTACCTTATCCATGGCGTCTATGTTCTTGACCGTGAAGCCT  
TTTGTAACAAATTTGAAACACCCACTTTCTCAAATCAGAGATTACACAGCACTCGGAGAATCTCCCTTAAAGT  
TTGTGCTGTGGGGAAAAAATTGGAACCCGCCAAGGTTGTTCCACAAGGGGATAGAGCCCTCATTGGGCTCGA  
GGAGCTTCTGAGAAATCAGCAGGAGGAGTTCTACTTCCCAAGTCAGCCGTTAAATTTGAGCGTTATCTTTTA  
GGAGAGATCCTCTCTACAGGTGCTGATGCCGGGGATTGGGGCAAGGAAAGAAGGTTCTTTTCTCAGACATA  
AGTGCTTATGAGGTGGATTTAGGCACAGATGCAAAACATGTCTTCTGCAAAGCAAGTGATTTACTGGCTGTAG  
TTGAGTAAGTGTTAGGTTACCTTATTCTTTTGAAGGCAGAAGGATTTTTCATTGTTGTGGCTTCAAATGTAGTT  
GAATATGATATATTTGAAGCTTCTATCTCAGTTCATGGATATCATTTCACTCAGCCTCAAAGACGTTCAGTCTG  
CTTTCCTAGTTTATAGAATTTTGATTTCTCAATGGTAAAACCTTTGAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4188 AY107722|Zea mays PCO146241 mRNA sequence

AAATCTAATGTAGAAAGAACACGATGGGCATGTGGTTGTTTTTCGAAATGTTTGGTCAATTGTAAGAAGAAAT  
GAAGGCAATTTGAAGCCATTACCTTAAATCCAACGCAAATATCATCTTCTTCTTCCATCCTTCAATCAATCACAA  
GCAACTCTGCTCCATTAGCATCATCAGAGATTAACCATGGCCGCTCTTCTTCTTCACTCCTTCTACTGCGAGC  
GTTCTGTTTGGAGAAATGGGGAAATTGAAGGCACGGAGTCATTCATTTTATCATCCAAGAAACCTATGC  
GCAGTAGCTTTCTTCTGCTCTCGGCTCCAACAATTCTACAAATGGCATCTCCGCATTTTCTTCAACCCTGTTGAGG  
ATCCTGTACTCAAAGAAGCTCTTAAGGAGCCAGTGGCGTTTGCAGGTGGGCTATTTGCTGGACTTTAAGGCT  
TGATTTGAACGAAGATCCACTAAAGGAATGGGTTAAGAAGACAGTGGAATCAGCTGGACTCACGGAGGAAG  
TTGATACTCAAGGATCTGTACAAGAGGATGGCCCGACCGAGATCGAGATTGAATGATCCCATCAATGGATCTA  
ACCTGGTATAGACAATCTTATTTATTCCAATAATATAAACCAGAAAAGTGCGAATGAAATGATATTTGATTACT  
ATTACTACAGCTCCCTTCTAACTTTCCTTTTCTTGATTTAGGAGGAAACATTTCTTTAGTGTCTGAATTAATCA  
GTTGTTTCAAGTTTAATTAATTAATATATATATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4189 NM\_129085|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding (AT2G35330)  
mRNA, complete cds

ATTGCAGAGGAGAAGGATAATATATCAAAGTTGCAAGATCAATTGGAGATGATCAAGTTAGGTCAAAAAGAG  
GCTGAGGTGAGGTGGAGGCAGGAGGTGAATGCTAAAGAGGCTGCCATGGCACAAGTGGAAGACGAAAGAC  
GTAGTAAAGAAGCAGCAGAGGCTAGTAGTAAACGAAAGCTCGAGGCACTACGCCTTAAGATAGAGATAGATT  
TTCAGCGCCACAAGGATGATCTCAAAGGCTTGAACAAGAACTTTTGCCTTAAAGGCATCTGCACAATCCAC

AGAGTCACACCACCCCTCCAATAACAATACACCTAAAGGGAATTCTGACAGTGTAACCCAGGGAGAAACC  
ATTGCGAAAATGCTTCGGAATTAGACAGTTATGAGGATTCGTCAGAGAAAGACCTCAATCAAGACCGTGAC  
TGCATAATATGTAAGAGGGGTGAGGTCTCTATTGTTTTCTTGCCTTGCTCACCAAGTTCTGTGTGCCAGTTG  
CAGTGACAACATATGGCAAAAAGGGTAGAGCAACATGCCCATGTTGTCGGGTACAATAGAACAAAGAATCCG  
AGTTTTTGGTGCAAGTTCATAGAAGAATAGTAATGAAGAAGAGGTTAAAGAATACCATGTTTCGAAGTGTAA  
ATTTGTTTGTAAAAGAACTCCATTGCCTTGGTAATATACCTTCGAACATGTTTACAGTTTACAAAATTTACCT  
AAATCGAATATGCTTATGATATATGAGAATGGTTGACAGTGATATAATATAAATAAAAAGCAGTAACTTTGC  
GTAAAAAAA

>trans\_c\_4190 Novel Gene

AATCATATAAATTGTAATATCGTCACTCTCGTTCCCCTTCTTTCAGAGGCAGCTGGATACGCAATTGTTGAGATC  
TCCTTCGCACCCGCCGTCCCAGATTCATTTTGAAACAGGAAGTATGGCGTACGCAGCAATGAAACCAACTAA  
GCCAGGCTTAGAAGACACACAAGAGCAAATCCATAAGATCAGGATTACACTCTCCTCAAAAATGTCAAGAAC  
CTCGAGAAAGTCTGCGCCGATTTGGTTCGTGGTGCGAAGGACAAGAGGTTGAGGGTGAAGGGACCAAGTGA  
AATGCCCACTAAAGTCTCCACATCACAACCAGAAAATCTCCATGTGGTGAAGGTACCAACACATGGGACAGA  
TTTGAAGTTCGTGTTTACAAGCGAGTTATTGACCTTTTCAGCTCTGCTGATGTAGTGAAGCAGATTACCTCCAT  
CACCATTGAACCTGGGGTGGAGGTTGAGGTCACCATCGCCGATCAATGAGTGCACCTTTTTTCATGTTTCGACT  
ATTTTTAGTTTCATTAGACAGCTGTTACTTTTTTGGGTTTGGAACATACCTGTCAGGTCATTGGGGTTTAAATGC  
AATAGTTGTTCCATTATATGTTGAAATTAAAGACATTGATAGAGTTTTCAATTCCTGGCAAATTTTTCTTGCTT  
TAGAACTAATGTTAATTTTTCTATCTATGCAGATTTTGTATCTATAGCTGTGTGAATTCCTTCTAATTCAGATT  
AAATGTGCAATGCTTCAATAATCCATATCACGGTCTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4191 AJ538516|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BC2-M41-002

ATATTAGTGCTTGACGAAGCTACTGCATCAATTGACAATGCGACTGATATGATTCTACAGAAAATTCGATC  
TGAATTCGCCGACTGTACTGTGATTACAGTTGCTCACAGAATACCAACTGTTATGGATTGCACAATGGTGCTTG  
CTATAAGTGATGGGAGAATAGCAGAATACGATGAACCGGTACGTTGATCAAAAGAGAAGGCTCCCTATTTG  
GACAGTTAGTGAAAGAATACTGGTCTCACTCAGCATCTGCACAATTATTTTGAAATCAACAGTTTGTTTGCCCA  
GGGGCATATTCTTTGCTGTCTGAAAAGAAATCAAAAATGGATTTTGAAAGACAAAAGGGGGAGTAGATA  
TTGAAGAGCAACTGATCAGGCGTACTTATCAGAGTCTTTTCATAGAGGTCCTTCGTTTTTGTGGTGCAATCCT  
GCTTCATTGAGAAATGGCCATCTCCCATCCGAGTAGCTGGAGCAAACAGTAATAGCCACATTCTGTTAGGGG  
GAAATTTTGTTCCAATGGAACCCGTTTTCTTACCAATTAGTTTCGCGAGGGAATCAAGAATTTGTAAATATCT  
TCTATTCTCCCTTCTCAAACTGCATTAATGATCATTGTACCAGTAAGATTTTGGTGAGAAACATGTATGTTT  
CATCTATTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAGCAGC  
GGTAATGAGACTTTGAAAAGATATTCGACTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_4192 AF205130|Nicotiana tabacum guanylate kinase (GK-1) mRNA, complete cds

CTCGAGAAGCGCCTTCGTGCTAGAGGAACTGAACTGAAGAACAAATCCTCAAACGACTGCGAAATGCTGAG  
GCAGAGATCAAGGAAGGAGAATCCTCTGGTATATTTGATCATTTCTTGTTCAATGATAACCTTGAAGAGTGCT  
ATTTGAGTCTCAAGAACTCTTGGGGATTGATGCGAGCGTCAATACTTGCACTGAATCAATTCAGAAGATTT  
GGACCTTCCTCAATTGTCCATTAGTATCAAGGATTGATAACAAAATTATAATAAGCTACCGAATTCAGACC  
TTGATAATGAATCTCAGAAGATGATTGTATTGGATCTATCCTCAATCAAAGGTGGAGCACCTGGCCGGACAAG  
AGGGCTGGAGGCTTATGCAATTGACTCGGTTACAAATGGCTCAACTATGATCAATCAGACTAGCTAACGAACC  
CTCCACCTATGATGATTTACTGCTAACTTTGTTACCCTTCTACAGATGACAGCGAAGAGATGATGGTGCATT

CCCTATTGAACACATTAATTTGAGACGACATAACTAGTTTGATTTTTCCCAGTCTCACCTTTTGTTCGATTTTTT  
TAAGTTTAGGAAGAGAAATGACTTGAAGCAGTGTCTGAAAGATCGACATCATTATTATTCTCTTACATTT  
CATTACATGGGTGTGAGAATGTGATCTATGATTTTTCTGCGGCGAATTGACTCATTATTTATACAACACTAACA  
CTTTTCTTGCTTGTTAGAAATTGGAAGCCCCATTTTTCCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4193 Novel Gene

ACTTCCGAGAGGATCCCCAAATTGCGTTGCTTGTTTCCTCCGACTAGGGCGGCTGCTGGTCTTCTGGACGGAG  
ACCC TTCATCCGATTTAACTCGCTCTGTGTCACTTTCTTCATTTGGTTCTTGTTTGAATCCCGACAACGAAGAAC  
GAGAGGACTGATCTGTTCCCTTGTAAGAGACTCGAGTGCAGAGAGAGGATTCTCGATGGATGTACAAATGA  
AGGACGAAAAGAGCTTGGAAGAAGAAGATGATTATGTCGAATATGTTCTGTGGCAAAACGTAGAGCGATG  
GAAGCTCAAAAGATTCTTATGCGCAAGGGCAAGGCTTCTGCTCTTGAGGAAGAGTTGGAGAAATCAAGACTT  
GCTGAAGCCAAGCCTAGTCTCCTTGTAAGCATCTCAGATGAAGCGTGACCAACCAGAAGTTAGTTCAACAG  
AACAGATTGTTTCAGCAAGAGAAAGAGATGATCGAGCATTTATCTGATCGTAAACTCTAATGTCAGTTCGTGA  
ACTAGCAAAAGGAATTACATACAGAGCCATTATTAAGTGGATGGAAGCCACCATTGCCTATCAGGAGGATG  
CCAAAAAGGCGTGTGATTTGATTGCAAAACAGTGGCACATAATAGTTGATGGTGACGAGATCCCACCACCTA  
TTAAAACTTCAAGGACATGAGACTCCCTGAACCAGTTTTGAAGAAATTGAAAGAAAAAGGAATTGTGCAACC  
TACTCCATTCAAGTCCAAGGTCTTCTGTAATTTTATCTGGCAGAGATATGATTGGGGATTGCATTTACNGGT  
TCGGGAA

>trans\_c\_4194 L01433|Soybean calmodulin (SCaM-4) mRNA, complete cds

AACCTCTCTGTTTCTTCTCCTTCCCGTTTCCCCCTTCTCTCTCTCTCTGTTTGTTCGAGAAAATTTTC  
TGAAGAAAAAAACATGACGGAAGTACTGAGTGAAGAACAGATCGTGGAGTTTAAGGAAGCCTTTTGTCTGT  
TCGACAAGGACGGCGATGGGTGCATTACTATCGAGGAATTGGCGACGGTGATCCGATCGTTGGATCAGAATC  
CGACGGAGGAGGAGCTTCAGGATATGATCAAGGAAGTCGATGTCGACGGCAATGGAAGTATCGAATTTGCTG  
AGTTTCTCAATTTAATGGCCAAGAAAATTAAGGAAACCGATGCCGAAGAAGAGCTGAAGGAGGCTTTCAAAG  
TGTTTCGACAAAGATCAAAACGGATACATCTCAGCCACTGAGCTGAGGCACGTGATGATCAACCTCGGGGAGA  
AGCTGACAGATGATGAAGTGGAGCAAATGATCAAAGAGGCCGATCTTGACGGTGATGGTCAAGTCAACTTG  
AAGAATTCGTCAGATGATGATGGCCGTTGGATGATTGTTTCAAAGTAGCTTTTAAATCAAAATCAACGGACC  
CAAAAAATATGGGATTACTACTCAATTAGTCAATTTCAATTTATTTTATATATCTTTCATTTATTTCTGCCTTTTCT  
TTTTTTTACGTAATTATCAATTAATTTGTAGCCTTTTTTTTTTCCCTTTTAGCCCAACTTGTTCAATTAATGTAAGCA  
GCACTTTATTCTTAATAACAATTTTATTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4195 AB029147|Cucumis sativus mRNA expressed in cucumber hypocotyls, complete cds

ATCACTTCATCATCTACTACTCACTCACACGGTAGAAATGGGTAGACAATCCGTAATCGCACTCGTTCTCATCT  
GCGCCGTCGTCGCTGTTGTGCGGTGGCCAGTCTCCGGCTGCTGCTCCCACTACTACCCCGCCGCTACTCCGCCA  
GTAGCAGCGAAGTATCCACCTCCAGCCGATCTCCTGTATCTCCACCGACAAATTCATCTCCCGCCGCCGCTCC  
TCAAAAGCCGGCCACTCCAGCACCGGTCTCCACGCCGCTGCATCGGCGCCACCAGCAGTCGCTCCAGTAGCT  
TCTCCACCAGCCAGCACTCCTCCGACTGCGTCCGTTCTGCTAGCTCTCCTCCGGCTGCTTCCGTTCCACCTAGC  
TCTCCACCAGCTGCTACCGTTCCGGCAAGCTCTCCGCCTGTTCCAGTTCGGTTAGTTCTCCACCAGTTCAGTA  
CCTGTGAGCTCTCCTCCAGTACCAACTCCAACGGAATCTCCTCCGCTCCCGAAAGTTCTCCTCCTGCCCAATC  
GCGTCGCTCCTGCTGAGGTTCCGGCCCCGGCACCTAGCAAGAAGTCAAAGAAGCACAGAGCACCAGCTCCT  
TCTCCAGCGTTGCTCGGTCCACCTGCGCCTCTTCTGAAGCTCCTGCAGGAAGCGAGGAAGGTCCTTCGCCCA  
GTCCTTCACTGAAGGACAAGAGTGGAGCAGAAGCATTGATGAAGGTGGCCGGAAGTTTGGCTTTGGGATGG  
GCTGCCGTCGCCGTTAGCATTATCTTTAGAGAGAGAGAGAGAGAGATTGATCGTGCTTCATTTATTTAT

>trans\_c\_4196 NM\_115882|Arabidopsis thaliana ADL1E (ARABIDOPSIS DYNAMIN-LIKE 1E); GTP binding / GTPase (ADL1E) mRNA, complete cds

AGTACAGTCATTGAGCTCGCGACGCTCTGCTCTCATCTAGGAGATGGAGGGTTCCTTCCCTCCGAATCCTTGT  
AGAGCCCATTAGCAGTGAGGTTTCTGTGCCAATGCTGTCGCGACGATCTGCCCTCGTAAGTTAAGAATGAGG  
CTTCGCTCTCGGAGATGGAGGCTCCCTTCGCTCCAAATGCTCGCAGAGTCTATGATATCTATGCACGATCATCT  
TCTCCTTCGCTTCGAATGCTTGCCTCTGCTTTCTGCCGCTAGGGTTTGTTGTTGAATTTGTAATGGGCGTACTT  
TTACAGCCTAATTGCATTGTTCTAGCAATATCTCCTGCCAATCAAGACATAGCAACTTCTGATGCCATTAACCTT  
GCAAGGGAAGTGGACCCATCTGGGGAAAGGACTTATGGGGTGTGACGAAGCTTGACTTGACGGACAAAGG  
AACTCTAATGCTCTGGATGTTTTGGAAAGAAGTTCATTTAGCTACAACATCACCGGGTTGGCATAGTGAACC  
GATCTCAAGCTGACAAACAAAAATGTAGATATGATTATTGGTAGACGTAAGGGCGTGAGTACTTTGCAACTAG  
TCCCAGCTATGGACACCCAACCAATAAAATGGGTTCAGAATGTCTGCTAAGCGCTTATCAAACGTTTGGTCTTA  
ATTTCTGATTTTATTGCCTTTCAGTATAATTTTTGTTTTCCGAAAAAGATCATCTTTATTTATGGTGCATTCTGT  
TCTTGTATTTGGAGTCCGTGATTAGAGTTCGTATACCCAGTAACAAAAGCATCGATGAACTTGAGTCTG

>trans\_c\_4197 AJ243544|Raphanus sativus gene for 67 kD chloroplastic RNA-binding protein P67.1

ATGAAGAATTCTGGGACTTGCTCACCTGACAGTTGGACATTTTCTTCCATGATTACCATATATTCCTGTAGTGG  
AAAAGTATCTGAGGCTGAAGAAATGTTGAATGATATGGTGGAAAGCTGGTTTTGACCCTAATATCTTTGTCTTA  
ACATCACTAATCCAGTGCTACGGGAAAGCCAAACGTGTTGATGATGTAGTGAGGACATTCAATCAATTGATAG  
AGTTAGGATTAACCTCCAGACGATCGATTCTGTGGCTGCCTTCTCAATGTGATTGCCAGACACCAAAAGAGGA  
AATTAGTAAGCTGATTGATTGTGTTGTGAGAGCTAATCCAAAACCTGGATTTGTGGTTGAACTCTTGCTAGGA  
GAGCAAGACAAGGAAGGAAATTTCAGAACTGAAGCCTCAGAACTCTTAGTGTTGTCAGTGCTGATGTGAGA  
AAAGCCTACTGCAATTGCTTAATTGATCTCTGTGTAATTTAGATCTTTTGGATAAGGCATGTGAACTACTGAA  
TTTGGGGCTTACACTTCAGATATATAAAGATTTGCAGTCCAGGTCTCCAACCTCAGTGGTCTCTTTATCTTAAGG  
GTCTTTCTCTTGGGGCTGCTCTCACTGCATTACACGTTTGGATAAATGACTTAACAAAGGTACTTGAATCCGGG  
GAGGAACTTCCACCATTACTTGAATAAATACTGGACATGGAAAACACAAGTATTCAGATAAGGGTTTGGCAA  
GCGTCTTTGAATCACATTTAAAGGAATTAATAACACCTTTCACGAGGCACCAGAAAAGGTTCGGATGGTTTTT  
GA

>trans\_c\_4198 AY050318|Arabidopsis thaliana At2g26230/T1D16.13 mRNA, complete cds

AAGTCAGGTGTTTTACAAGTGAGCTCTGGTATTGAAGGACTATCTTTGCTGAAGACAACCTCAATCGGGTTTTG  
AGCGATTTACAGGGATAAGTACACAGCTCTTCTGAGACACGAGAGAGGATATTAGCCACCGAAGTATCTG  
CTTCATGGAGGTATTCGTTTGAATCTCTCTATGGTATCCCCAAAAACCAGGGTTACTTCACAGAAACATACCTT  
GACGTGAAAAAAGTATTAGTTGACACCTTCTTTGGTCTCCAAAAGAGGGAGTTTATAGCCCATCTGTGCAAT  
ACACTCTTTATGAAATGGCAAAGAATGTCCTCAGCAGGTTCCAAGTTATATCATCAGTGAAGCTGAAAATGCC  
AAATCTCCACTTCTTACCTGTCAACATATCAACTAAAGATAATCAGAGTATCGTTAAGTTTGAGGATGATGTGT  
ATCTGCCAACAGATGAACCACATGGATCAATTGAAGCTTCTTGAGCCGCTTCACTTCAAAGCTATGAGGAAA  
TTAAGCCTTTTCTGCCTTCTCTTTTTTTTTTCCAGGTTGTTGTGCCTTTTCCCTTTGTAGAAAAAATAAAAAATG  
AGTTATATCTCTCAATATAAACTTTCTGCTTGTAGATTAAATCATTACGTGAAAAAAAAAAAAACATAAAAA  
TGTTTATTTAAATTTAAATGTTGATCATGGTCATGATCAGGTTGTTACATTATGGATATTCTGTTTTGTGTAATG  
TGTAACATAATGATAAACTTTTTCTTCTATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4199 AY701319|Nicotiana benthamiana autophagy protein ATG7 mRNA, partial cds

ACTTTATCCCTTGTTGGTAAAGCCCTGATTGATGATCCTAAAGGGTTGAGAGATCAATGCTGTATGCCTAATGC  
GGTTGGATGGGAAGCTGAATAAAGGGAAGAAATTCTACAAAATCAACCTTGCAAAATCGATGGACCCAAC  
TCGATTAGCTATATCAGCAGCAGATTTGAATTTGAGACTAATGAGGTGGCGTGCTTTGCCTTCTTTAAACATAA  
ACATCTTGTCTTCTCTCAAGTGTCTCTTGCTAGGGGCGAGGCATGGGGTGACGAAAAATTACACTAGTTGACA  
GTGGAAGGGTAGCTATGTCTAATCCATTGAGGCAATCACTTTACACATTGGAGGACTGCCTTAATGGCGGTGA  
CTTTAAAGCTGAAGCAGCAGTTAAAAGTCTCAATCGAATTTTCTGCCATGGAAGCAGAAGGTGTTGTGATT  
TCCATACCAATGCCTGGGCATCCTGTTCCAGACCATGAAGCAGCCAGCACAAATTGATGATTGTAGACGACTTG  
ATGACTTAATTAAGTCTCATGATGCAGTTTTCTTGTTGACTGATACTAGGGAAAGTAGGTGGCTTCTACACTT  
CTATGTGCCAATGCAACAAGGTTACTATCACCGCAGCTTTGGGGTTTGACAGTTTCTTAGTTATGCGCCATGG  
AGCTGGTCCTTCTGGTTCTGCCATGACTCCACATCTCAAATAATATAGCTAACCTTTCTTAAATGCTACAAA  
CACCAGGCAGAGATTGGGCTGTTACTTCTGTAATGATGTTGTTGCGCCTATTGATTCAACTGCCAACCGGACA

>trans\_c\_4200 XM\_002890744|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L34 family  
protein, mRNA

CTCCGCTAGAAGAATTAGCTGAAAGGGGGAAACACACAGTCTAACAATGGCAGCGATATCAGTATTATCGTC  
CCCATGGGTTTCCAACGGAGCCATTGCCGTCCGCGTTCCTTCAGCTTCTCTTGTAACTCCACTGGTTCTAGAG  
GTAGCTGCTCCGTATCTCTGAATACCGCCAACAACACTCCGCCCGTTCTGGACTGCTCCATTGTTCAATTTCTC  
CATCTTCTCTCTCTCTGCTCTTCATCTTTTTCAGGTTTATCTTTGGGTTTGGATTGGAGCTCTAAGGTTGGGGT  
CGGACAAGGGAAGGGTCGGAGCTTAGTGTTAGGGCTGGCAAGGCTGCACTATGTCAGACTAAAAGAAACA  
GGTCGCGTAAATCCTTAGCTCGGACTCATGGGTTTCGACAGCAATGCGAACCACCAATGGTAGAGCTGTTCT  
CAAGCGCAGACGTGCCAAGGGTAGGAAGGTCTCTGCACAAAGTCCAACCCTAGCAGTGGAAGCGTGCTTA  
AGTTTTTCTCGCTTAAACATTTGTAGGTTAATTAGGCAATGTTGTCTAATTCTCTTCCAATGACTGGTCAAG  
GTAGCTCTCACTATATTACATGATACTTTGTTATTGATTCAATTTGAAAGTTTCTTAATTGTCAATGTTAAATTC  
ATGTCCTGACGGGACAAGCTTATGTGATTGATGCGTTTGATTGTTCAATTTGGAAATCTCTCTGAACTGAAAT  
ATGTACATCTTCTGATAATAGAAGGAAAATTAACTCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4201 DQ321491|Nicotiana benthamiana AGO4-2 mRNA, partial cds

ATTGGGTACGTACTGCAGCTCGGTAACGAGAAATCAATGGCCACTGTCTAGAACTGACCACCGCAGCAATAG  
ACGGAATATCTGACTGTCCTGGAGAACCATGTGAAACATCCATACCCAGGATAATTGTGGGAACTTTTGAAA  
CCATAGGAATGGATGGAGAATGCTCAACTGCTAATAAGGAATTAAGCCACCAAGCTTGCGGTTGATCTTAAG  
GAGCACATTTGTGAGGTATTGGTCATTTACCCGTGTAGGAGCAATACACTGAGTAACAATTCCAAATTCTGCA  
AGATTCTTTTTCTTCCAAGGACCATAAAGATCAGAATTCCTTCTCTCAGGCAGTAGACAAAGAAGAAATTGTGG  
TTGTCCAGGAAGTTTAGACTGAACTTCCTCAAACATCTTCTCCACTCTAACCATAGGTGGGGCACGTCTGAACT  
GTGGATTTTCTTCAAAAACATCAAAAAGGAGCCTCTATTGCGATGCCTTTCATATCACCGCATTTGATAAGGTCT  
CTGACAAGGCCACGTGTATCACAGCGCGCCGAGAAGTTCACCACAGCCCATCGCTCTATTTTAGTAGGTTGAG  
CCAATTTCTTATTATTGAAATTCACCGGCCATTACGAGGAAAAAATCTTCCCCATTGCCAACTTTTAACTTGG  
GTGCAGGTAGAACACGGCCTTCAAATGAATGAAGCTTGAATTAATAGCAATTCACATGACCGTAACATTGGC  
TCAGCATCATATTTGTTCTTCTCAATGAATCAGACAAAACCTCATCCTTCTTGTGGCTTTTGCCTCGATTT

>trans\_c\_4202 NM\_001062651|Oryza sativa Japonica Group Os05g0528200 (Os05g0528200)  
mRNA, complete cds

GAAATCCCTAATTCCTTCTTGTTCCTTGCTCTCACGTGCTCCCCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTACTTCTTCATTT  
CACGCCGTCTCCCGTTCCTTTCTACAGCTCAGCCGCGCCGCGCTTCTTCCGTTCAAGTTCTACCGCCGCTT  
TCCTTCGCCTAAACCTCTATTCTAGCAGTTTTAGATCATAGCAAAGAAGAAAGATGAACAAGGACAAGATATTT

AAGCTAGCCAAGGGTTTTAGAGGCAGGGCCAAGAATTGCATAAGGATTGCCAGAGAGCGAGTGGAGAAGGC  
TCTCCAATATTCATACAGGGATCGTCGGAACAAGAAACGGGACATGCGCTCTCTTTGGATAACAACGCATCAAT  
GCTGGCACACGCCTTCATGGGGTGAATTATGGCAATTTTATGCATGGGCTGATGAAGGAGAACGTTCAACTAA  
ATAGAAAAGTATTATCAGAGCTCTCAATGCACGAACCTTACAGTTTCAAGGCGCTGGTAGACATCTCTCGTAAT  
GCATTTCTGGAAACAAGAATGTAGTGTTCCTCCCAAGAAAGATGCTGCTTCCATGATTGTTAATGGACCGT  
TTAAGAGTCCTCTGGACCTCCAGTTATATAGATACTGACTCGGGGTGTTGTCTGGCTTATGATCATCTAGAGTT  
GATGCTTGTTTTAGCGTAGTTATTTTTGTTACTGTTATTGTATTAATTCTCCTAATCTTGTCTAGACACCGAAATG  
CTTCTCCATTTGAAATGATAAAAGTTTTCTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4203 FJ901246|Vitis vinifera CBL-interacting protein kinase 18 (CIPK018) mRNA, complete cds

GTGTGTATCAAGTTAAACCGATGGTGTAGGACCCAATTCAGCTAATAAATCTTGTACCAAGAGAAGTTAGTG  
GTGATCAAATCTTCCAGAGGTGAACCACCGCCTAGGAAGAGTTTACGAGAGGTGAGCTCGAGCTTCTCTGTCT  
TCTGCTTCTTTTCTCAGAATTTGGCCTTCAGCAATCTCAGGGGTCGTTAATTTCTGCTCTGAAGTGGCTACAT  
AATCTCTCTTCTCATCCTTACTGTCCGAGAGAGTTTGTACTCCAATTTTTTATTTGTTTTTCCAATTTCCACAT  
TTGAACCTGCATAAGCTGTTGGTTCCCAAAGGTTAAGGACTGCTGCGCACTGGTGATTATTGAGTTGAAGAAA  
GAGCATTAGAAGATTCTACATCCATGAGAAGATCAGGTGTAAACCAACCAAAAGTCAAGCGCCTTGTGGAA  
AATATGAAATTGGTGAACAATTGGCGAAGGTACATTTGCAAAGTGAAATTTGCCAAAAATTCGGAGACTG  
GGGAACATGTAGCAATAAAGATCCTTGACAAAGAGAAAGTTCTGAAGCACAAAGATGGCTGAACAGATAAAGC  
GGGAAATTGCCACGATGAACTAATAAAGCATCCACATGTCGTCCAATTGTTGAGGTGATGGGGAGCAAAA  
CAAAGATATTTATTGTTTTGGAGTTTGTTACTGGCGGAGAACTTTTTGATAAAATTGTAAATCATGGACGGATG  
AGTGAAAATGAGGCACGGAGATATTTCCAACAGCTTATAAATGCTGTTGATTATTGTCATAGCAAGGGGTGTT  
T

>trans\_c\_4204 HM066996|Medicago truncatula cultivar Jemalong A17 alpha-L-arabinofuranosidase (Araf1) mRNA, complete cds

CAAGGCTTTTGTGAGCGAGTATGCTGTGACAGGATCAGATGCTGGTACAGGCAGTCTCCTCGCGGCCGTGCGC  
TGAAGCTGCATTTCTATTGGCCTAGAGAAGAACAGTGACATCGTTGGAATGGCAAGCTATGCACCACTTTTC  
GTGAATACTAATGACAGAAGGTGGAATCCAGATGCTATTGTCTTCAACTCTTCACACTTTTACGGAACGCCTAG  
CTATTGGGTGCAACGTTTCTTCACTGTGTCAAGTGGAGCAACTCTTCTTGATACAACACTGGATGCTAATTCTG  
CCTCTTCCCAATCGCTTCTGCCATTATATGGAAAAATGCTGAAGATGACAATTACTATCTTAGAATAAAGATT  
GTTAACTTTGGAAGCAAACAAGTGAGTTTCAAGATATCTGTAAATAATTTGAATGCATACTCCATTGGGAAATC  
CGGGTCATCTCAGACTGTACTTACATCTGTTAATTTGATGGATGAGAATTCCTGAATAACCCAAAGAAGGTGT  
TTCCCGTCGAAGTTCCGCTTAACTCCGCCGGCGAAAACATGGACGCAAGTAGTCCCCCACATTCTGTAACCTTCA  
ATTGACTTGCTAATGGAATCTAGCAGTATTAGGATGCCTGGAGGCCATCATTCTCAGCATCTGCTATCTGAAG  
TGGGATACGAACTGATAAGCAACACAGTGAATGCATATAATATATTGTCTGGCAATCTTTCAACATTGGATA  
GGTTGAGAGGTATATCTTACTTTTCATACCGTTTGCTTTCAAGTGAAATAAACTAATACCTCCCAATGTAC

>trans\_c\_4205 NM\_106510|Arabidopsis thaliana emb1473 (embryo defective 1473); structural constituent of ribosome (emb1473) mRNA, complete cds

ACCAATTCCTCAACTGAAAGAGCCACTGCCAGAGCTACAATGGCGATGCTCTGTGCTTCCTCCTCTACACCCAC  
TTTCTCTTTACATTCTCTCTACCAATGGAACCACAAGTAACAGAAGCATTCCCACAACTCACTCCTTGTTGC  
CTTTCCACTCCCACATTCAAATCTTCTTTCTTCTAACCCAGACCACCTTCTTAACCTCCAACCTCCAAGAGG  
TCGGCCCTTCGAGTGCGAGCTCAAGAGCTGGATCGTGTCCCTTTGGAACAACGGTGGATGTTGAGGGCGAC

GAGCTCGACGGCCCTGATATATGGAATAAAACGTGGTACCCGAAGGCTGCAGATCATGTGAACACAGAAAAA  
CCTTGGTATGTGGTTGATGCCACTGATAAGATTTTGAGAAGACTAGCTTCGACCATTGCCAATCATATCCGAG  
GGAAGGATTTGCCAACCTATACTCCTAGTGTGGATATGGGGGCTTTTGTGATTGTGGTAAATGCAGAAAAAGT  
TGCGGTGTCTGGTAAAAAGAGGACTCAGAACTATACAGGAGGCATTTCAGGGCGACCGGGTGGTATGACTG  
TAGAAACTTTTGACCAGCTACAGCAGAGAATTCTGAAAGAATTATCGAGCATGCTGTTCTGGTATGCTTCC  
AAAAGGGAGGCTTGGAAGAGCACTCTTAACCACTGAAGGTTTACAAAGGACCAGACCATCCACACGAGGC  
ACAAAAGCCAGTTGAGCTGCCAATTAGGGACAAAAGGATAAACAAAGAAAGATAGTATATGAACTACTAGGA  
GCAA

>trans\_c\_4206 GQ853587|Physcomitrella patens subsp. patens TONNEAU1 mRNA, complete cds

AAGTCCGGCTGATAATGTCATTGCAGTTGTAGAAACAGTTGTATGTGATGAAGCTGATGTACCCACAGAAAAAT  
GAAAGTGCCCACTGACAGATGGTGTCTGGAGATTCAAAAATGGCCATATGCAACGAAGCTGATGTTCCACCA  
GTCAGTGACACGGTGCAGGGTCCGGCCAATAGTTTCACTTCAGTAGAATTAACCATACATGATCAAGTTGATG  
TTCCTCCAGTTAGCGACTCGGCAAATGCTCCAAATGATACCTCTACCATATGTGATCAAGCTGATGCAACTCCA  
GCTTCCGAGTTAAACAGGATCCAGTTGATAGTGCCACCCTGGCATGTGATCATGCGGATGTTCTACAGTTTC  
AGACTCACTGCCAGAAAATAAGTCTCCAACTTGGACCTGCCTTCTGGATCTCCACCAGTGAAGGATGAAACC  
ACTGTGAGACCCGGGAGCGGTCACTGGAGGAACTCCAGTTAACCAAAGTTCAGTTGAATCCGAAACAGAG  
GATCCAAAGCAAAGTGAATGAATGTAGAAATCTTCTGTAAATTTTTTTTGTATTGCCCTGGTATCCAAGTTTTTA  
ACCCACCCGGGGAAATTGTAGCTCCAATTTATAGGAATCTTCTATCATTTTGTATGTATATATATACACAC  
ACCAATTATGGCTTAGATTGCCCTTCTATATAATTAATTATTCATGGCAGATTTATGGTTCTCTTGAGAACCCAA  
ATACTGCACTGAACAATCAAACCTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4207 AL161544|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 44

TCCCCCTTCTCTTCCCCGCTCGAACAATAAAAACCAAACAGACCCAACTAAACAAAATTCTCCCTCCCCCTTCGC  
CGCCCTCAGTTCTCTCTCCCTTCCCCGCGTCTCTGTATCCAACTCCGAACCAGCTTCCCTGAGATTGCGAAACA  
TCGTTGCCTCTCATTGAAAAAGTGATAAAAAAAATCCAGACGTGAGAGAAAAACAGAGGATAACGTGTGAT  
CGATGCTGAGGTTGAGGTGTAGTTAGTGGATGAGAGATTTGGAGAAACGTAACGGAGACGATGAGTTTCAA  
CGGAGTATTGAGGATTTCAGCACTGTTGTTTGTGCTGGTGTTCGACGGCGGTTGTTGAAGAATCAGTAGCG  
GAGTATACGAAGATAACAACGAAAACGACGAAGCATAGAAACGCTTATGCATCGATGATGTATATGGGAACG  
CCTAGGGATTATGAGTTCTATGTAGCGACGAGAGTGTGATTAGATCGCTTGTAAGCTTAACGTTGATGCTG  
ATTTGTCGTCATTGCGTCTCGCGATGTGCCCGTTCGTTGGGTTCTGTGCTCTGTAAGATTCCGAATCTCTCTC  
TTCTGTATCTCTCTATCTTCTTTCTTTTGAATTTTCAATTTCTTTTCTGTTTTCTGAACCGATTTTCGATTC  
TTTTCCGTATGCTTTCTTTGCTTGCCTGTTGGCTGAAACTGATGTTATTAGTAATAATTTCCATTTTCGGAA  
TGAACCTTACGGCGGCGGGTCCGGCGGAGGGCGGGCCTGTTAGAGCTTAAGAAGTAGGGACGAATT

>trans\_c\_4208 DQ403257|Pachysandra terminalis papain-like cysteine proteinase mRNA, complete cds

TGGCACGTCAAATGTGTTACGGTATGCCCGGGAATTTGCAAGAGCCACGATCCGTGCCGGTGTAAAGGATAAT  
CCTCCTCTCTCTAACCCACCTGCTTCAAAAATACTCAAAAGCTGAAGTCATTAGTCCCCCGTTGCACCCTG  
CGTCGCATGCACCAGCTTCCTCCGGATCACACTCATGATCACAATCCACAAGCTGTTGCTCACTTAGACTAATA  
AGCTTTCCAGTTGACAAGAAATTAGCTCCCTCCAGCGCTCCAACAGCACTAAAAGACCAGCACGAGCCACAAG  
AACCTGATCTTTGACCGGCGTTACGGCACCTTTATCGCGCCAATCGAAATCGGAGGCGGAGGTTATCAGTCGG  
AAGGATCGGAGCCTGATGAGCATCAGCAGGAAGACGAAGCCGATTCAATCCGACGAAATTCTACGGAATTC  
TGACTCAGTAAGGTCGGAAAACCGAGTGACGCCATAAACAGCGTCGGGATCGAGCTTCTGGTGGCGCTTCGC



TTTGCGGAGGTTAGCCTTAAAGACACGAAACCTGTAATCGTGCTCCTCAGCAGTGGCGTAAGTCTTCCGAAC  
TTGAGTTTGAAGTTCTGGAAGTGTGTTCCGCGGTTAAAAGACGATCATCAGCACCGGAGACGACTTGACGAA  
TCAAAAGATCTTCGCCGTCGCTTACGTGCGCGTCGATTTGATCAGAAAATACACCGTAAGCTATTTGAGCCGAC  
AGTAGAATAGCGAAGAAGAGAGCGATTGCGTTGAAGCGCGCCATTGAGACTGAGGGAGGGAACGGAGATA  
TGAGAT

>trans\_c\_4209 Novel Gene

ACGATCTCACTCCTCTGTCTCAGACTTTGATTCCACCGGAGCTTGCTTCTGCATTCAAGTATATCAACCGGACCAT  
GTCGGACACTTATGGATGTTAATCGAGCGTCGAGAATACGCTATCGAATCTTCGTGGATTCAAGCACAAGC  
GTTTTATCGAATAATTTCAAGTCGTTTAAACGATGATCGAACTCAGGATCATGATCCGATGGTGGTTGAAGGA  
GATGAGGCAACGGAGAGGGATGCAGGGTTCGGATTCTAGGAAATTAAGGAAGGTTGATTGCGCAGAAGAGG  
CTGATTCGGCTCTTCGGACGGATAATTCTATGGATGATCCATCAGCTCGGACTTTGAAGAGACCGAGACTTGT  
ATGGACGCCACAATTACATAAGCGATTTGTGGACGTTGTTGCTCATCTTGGGATTAAGAACGCGGTTCTCTAA  
ACTATTATGCAGTTAATGAACGTGGAGGGATTGACTCGGGAGAATGTTGCGAGTCATCTTCAGAAATATAGG  
CTTTACTTGAAGAGGATGCAGGGGTCTTCCAACGAGGGGCCGTCGTCGCCGACCGGATTTTTGCCTCCACGC  
CTGTACCGCAGACCTTGCACCAAGTCAACCAACAGTGGGCAAGCAAATGGAAATGGGCATTGCCAGTTCCGA  
CTCCGATGCCGATGGACCACCTATGATGCCAATGCCGGTGCTTGGCATGGCAGCGTCTGGTCATGCTCATAG  
TTATATGGGTATGCCTGTAGCTCATCTGGGAAGCGCACAGGGATACCCTAGCTTTGAAACGCATCCGTTCAAT  
ATGATGC

>trans\_c\_4210 NM\_001063572 | *Oryza sativa* Japonica Group Os06g0192600 (Os06g0192600)  
mRNA, complete cds

TTTCTTCATCAGTTGTCTTCGTCGCAAGAAAATCACAAAGTTGCAGAATCCTTACTTCGGAGTTCCAACCTCTAA  
ATTTTCAGTCTAATGGCGCCCGACCCGAGGATGAGATCAAGGACGAGAAAAATCCCCGCCCCCTCGATGAG  
AACGATATCGCTCTTCTTAAGACCTATGGGTTGGGACCTTATTCTACCTGCATCAAGAAGGTAGAGAAAGAAA  
TCAAGGATATGGCAAAGAAGGTCAATGATTTATGTGGCATTAAAGGAGTCTGATACGGGTTTAGCAGCTCCAA  
GCCAGTGGGATCTTGATCTGATAAGCAAATGATGCAAGAAGAGCAGCCCCCTCAGGTGGCAAGATGCACAA  
AGATCATCAATCCAAATTCTGAAGATGCGAAATATGTTATTAATGTTAAGCAAATTGCCAAGTTTGTGTTGGA  
CTCGGCGACAACGTTTCTCCAACAGATATTGAAGAAGGCATGCGTGTAGGGGTTGACAGAAATAAATATCAG  
ATTCAAATTCCTTACCTCCCAAATTTGATCCAAGTGTGACCATGATGACGGTAGAAGAAAAACCTGATGTCAC  
CTACAACGATGTTGGTGGATGTAAGGAGCAAATAGAGAAAATGAGAGAGGTTGTTGAGTTACCTATGCTTCA  
TCCTGAGAAATTTGTAAAGCTTGGAATTGATCCTCCAAAAGGAGTTCTTTGCTATGGTCCTCTGGAACGGGC  
AAAACCTCTTAGCTCGAGCTGTAGCTAACAGAACAGATGCCTGCTTTATTCGTGTTATTGGGAGTGAACCTGT  
TCAA

>trans\_c\_4211 XM\_002890622 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* phosphatidylinositol 3-and 4-kinase  
family protein, mRNA

ACATAATTTCTCTTAACATTTATTCTAAAAGTTATTTATATAACAAGGTGGTAGTAGAACAGCTAGAAGAACA  
AAGTAATTTTGAAGAAAGAAAAAGAAAATACTACAACCAAATCTACTAAGTTGAGATGCTACAATATTTACAT  
TAGAGACTACCTCAGCCGTAGAAGTAGTAGTACTGACCGACCCTGATCTTCTAAATGTAATCTCTCGGAGAGA  
AATCAGAAAACCCCTTTGCTGAATTCATCAATCAACTTTCTAATGATGTAGAACAGCAAGGTTGGTGGTTGCTC  
AATCTCAAAATTGGCAAGAAGTACCAAGCCTCTGCCTCTGTCTCTGACCTAGAGTAGCAGATTTTCGTTTGGCG  
AATGCTGGGGGAAGTAACCTCTGAACTTGCTAAGAACAATGACCATGAATCCTCATTATCATATCAGCTAGCTT  
CACAAATGTTACACTAGCTGGAAGCTGTTCAATTGGCACTTCGGTGTCCAGATGATGTATTGGTCATCATGTATC

CATTGTCAGGTCTTGTTCCAAAGTATTTGCTATGTTTCTTATTCTTCTCACCTAGACTGGTATTCTTCAGTGACAT  
GGAAAGCTTTGAAATAGTTGGAATCCTTTGGAAGAAAACGGATTGGTGAAGCCCCCTGCTCGTTCATCTTCC  
TCGTCAATTTCTTCTCGATGCTTTCTCCAGTTTACGAAGAGGAAAACGTCCATGTATACCACTACCGACACTG  
AAGTGATATGGTGTGTTGGGTAAAAGTCATCTGCTTCTATCCCTTCGCTAAAATCCGATTCTGCTA

>trans\_c\_4212 XM\_002881876|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle 14 kDa  
family protein, mRNA

TTGGCAAAAAAAAAAAGGCATAATCGTTTTCCCTCTCGCCGTCGCTACTGCATTTTGTTCTCCGTTCAACGG  
GCGTCGATCGGATCACTTCCCTCGTACCTCTCAAGATCCGCTCCACACCCATCTCCATGGTCTACTGCAGCTAG  
ACCTTTTCTCAATGAACCTACCAGCATGTTTGAGCGTAGTACCGAGAAGGGTTCAGTTTGGGTACTCTAAAA  
CGATCATCATTGAAGTCCAAGGTGCAGAGAAATAAAATGACCACTGCTGGTCAACCTATTGAGTATAGGTGCC  
TCATCCGTGCTACAGATGGGAAGAAGACAATTTCAACTTCAGTTGGAGCAAAGATCATCTGAGATTTCAAGC  
TTCGTATTCAACCATTCTTAAAGCCCACATGACTGCTCTTAAAAAGAGAGAGAGAAAAGGACAAGAAGAAGGC  
AGCAGAGGCGGAGAAGGGTCTGAAGAAAAAACCCAGGAAAGTATAAAAGGAGGGCTCTTTTTTGCTTCTGT  
AGGTTACTCAAACCATTTGTAACCTCCTTCTCTTCGTTACCTTGTTTTTCATTCTTTAACTTGATGAGTGTTATG  
CTTCCCCCATATTTCTAGCAAAACGCAGAGGAAAGGGGAGGTAGGATTTTGGAGCTTCAGGAAGTAAAAAT  
ATTCGATCTTGTCATTTGTTAACACTTTTTTTTTTTCTTAACTTAAAAAGATTTAAATTATACATGTGATTTACT  
GTGGAATTGTCTGGAAGTTTACATACTCTCTTGTCTCCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4213 AY045615|Arabidopsis thaliana At1g68660/F24J5\_4 mRNA, complete cds

CTCAGTCGAAGCTCCTTTTACATTTTCTCTGTGAACCACTGAACCTTGCTCTTGCTGCACCAAATCACTCTTCATC  
CTTCAACACTTCTTCAAGCACGCCGAGAGAAGAGGGCGAGAGAGGCCATGGAAGCTGCAATTTGCGGTGAG  
TACCTCTTTCACCCAACCAATTCTTCACCTCAACCAAGCCAGGGGATAAATACTATTTTCATAAACAATGTAGAA  
ACCGGAGTGCCTTAATGATGATATCAGTTGCTGAGCTTGAAAAAGGTGGGGGGTGTGGAAAAACCAACAA  
TTGAGAAGACAACCTCCGGGCCGTGAATCTGAGTTTGATGTTAGAAAATCAAGGAAAACCTCTCCGCCTTATCG  
AGTGTTGCTACATAATGACAATTTCAACAAGCGGAATACGTTGTTCAAGTTCTGATGAAGGTGATTCCGGGA  
ATGACCCTTGACAATGCAGTCAACATAATGCAGGAAGCCATTACAATGGGATGGCGGTGGTAATTATCTGCG  
CTCAAGTAGACGCAGAAGATCACTGCATGCAGCTTAGAGGCAATGGCCTTCTCAGTTCAATCGAGCCTGCAAG  
CGATGGTTGTTGAATAAGAAACATAGATTGTGTAATGTACTCTTTTCCCCCTTAGTTATCAGCCATATTA  
TTGCATGTCCTCAACTGCTACAATGTTGCAAGTTGCACCTATGTACATAAATAGAGATACTTTATAAACAACA  
AACTTCAATTGATGAATACAATTATCACTCTAGTTATGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4214 AF227980|Euphorbia esula 60S ribosomal protein L35 mRNA, complete cds

AGGTTTGATCTTCTCAGTTTCTTCAACCTAGGGTTTTGAAGACCACCGCCGAATCCCAAACTCAACTCCGG  
TCTCTGCTTAACAGATTCTAATGGCGAGAATTAAGGTTTCATGAGCTTAGACAAAAGTGAAGGGGGATCTTT  
AGCCAGCTTAAGGACCTTAAGGCGGAGCTTGCTCTCCTCCGTGTCGCTAAGGTCAGTGGTGGTCTCCTAAC  
AAGCTTTCAAAATTAAGGTAGTGAGGTTGTCTATCGCTCAGGTGTTGACAGTGATTTCTCAGAAGCAGAAGG  
CTGCTCTTAGGGAAGCTTACAAGAAGAAGAACTTTGCCTCTTGATTTGCGCCCAAGAAGACCAGGGCCAT  
TCGTAGAAGGCTCACCAACACCAAGAATCTCTAAAGACGGAGCGACAGAAGAAGAAAGAGATGTACTACC  
ACTGAGGAAGTATGCCATTAAGGTGTAGGCTTAGAGAGAATTGATTGATGATCCTCCGTGGTATCATGCATCT  
TCTACTCAATTTGGCTTTTGATTATCTATACTTTATTAGACATGAGTGCCTATTTTCAATCTTATTGTTAGAT  
CTTTGAACCTTTGAAGTCTTTCTTTCTTTCCATGTAATACTTTAGTTTCTCAAGTTATAATGAAATGGTTTTGGTT  
AATGACCTTAGGCAGCTCTATCTTTTGCTAAGTTGAATGTGCTCTGATTTTAAACCATAGGCAGCTCTATTTTC  
CATGTAATACTTTAGTTTCTCAGCCATAAGTCTTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4215 NM\_117629|Arabidopsis thaliana PUX5 (Arabidopsis thaliana serine/threonine protein phosphatase 2A 55 kDa regulatory subunit B prime gamma); protein binding (PUX5) mRNA, complete cds

AGCCATCATCATCGTCATCCTCATCACAGTAATCAGGTCCGAGGGAAACCACCGAAAACTCACCATGGAAAC  
GGAAGCTCAACATGATGCAGCTGCCAATGCTGCTTCCATTAACCTTTTCATCGAGATCACTTCTCTTCCAAAG  
AGGAAGCCCTTTTCTTCTTAGAGAGCCACAATTGGGATCTCGACGCCGCCGTTTCCACCTTCTTGGATAACCAT  
GCCGCCGATGCCATCGACGCCACCGCCACCGCCACCACTACTGCCACTCGCCCACTTCCACCTCCTGATTGCCC  
TGAATTTGCTCCTTCAGAGTCGCCATCGCGTTCTCGTTCCCTTCCCCACCTGCTTCTCGTGCTCCTTATGAGCTC  
CGTTCGAGAAGAACTAGGGGTGAATCGGAGAAGAAGGATGACAATAGGGCTTCTGGTAATAGGACGCGTCG  
CATCCGCACCCTCTCTGACCTAAACCGGCCGCGGAAGGGGACTCTGATAGCGACTCTGATGAGCTGCAAGA  
GTACTACACTGGTGGAGAGAAGAGAAGCATGCTCGTGACGATCCTTCCAAAGGCAATTCTGTGATGCAAT  
TTTTGATCAAGCCAGACAATCAGCAGTCGTTGTACCTATTGAACCATCTTCAGCTTCGAGAAGCTTTACTGGCA  
CTGCCAGATTGCTCTCTGGGGAGACAGTGCCCTCAATTCCTAGGCACCCAGAGGCTGTCACTCACACTGTCACT  
TTCTGGAGGAATGGATTTTCTGTTGATGATGGTCCTTTAAAGAGATTGGATGATCCTGAAAATGCACCTTTT

>trans\_c\_4216 NM\_125964|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein (AT5G65660) mRNA, complete cds

TCATTCCATTCTTCTTTCCCTTCTTGATTTTGCTTTACCCATTTCCATGACAGATTCCACATGGAGAGTCCCAAT  
TTCTCTCCCCCTCACTCCGACCCATCCCGACCCTCCTTAGGCTTTCCCTCGGCACTGCTCTTCTCCTTCTCGTTAT  
CTTCACCTTGAGCGGAATCTTCTCCTGTTGCTATCACTGGGACAACTCAGATCCCTCCGCCGTTCCACTTCTCA  
ACCTTACGCGATCGTCACGATCTTCACCCACAATCACCTCCCTCCAAATCCAACCCTACTCAGGATTGGAGA  
AGAACCAGAGAGAAAGCTTGTCGGTGTTGATGCCTGGGGATTCCATTCCGAAGTTTATTGCGATGCCGTGCCC  
TAGGGAACCGTTGCGGCCGGAGATGATTGAGGTGAAAGTGGAGAAGCCGTTAAAGCCGCTGCGAATTGCGG  
TTCCTTTCTATTAGCCGACTCAGATTCAGATTCAGTTTCACCATTGATTGATGTGTGTATATAGATAGTAGAAAC  
AAATGAATTCTTTTGTGTTTCATCTGTTTTTCTTCTTGTAAGGAATTTCAATGGCTTCCAATTCATTAT  
TTTGTATATTTCAATTCACAAGCGTTCATCACCAAGTTTCGTATCTGCCTTTGCCGCAGTTACAACTTACGGA  
GGAAAAAAAAAAGAAAAGAGAGGAGCGTAATTATTATGAATTTAAAGCAGTTATTTTACAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4217 NM\_001067398|Oryza sativa Japonica Group Os08g0117700 (Os08g0117700) mRNA, complete cds

ACGGGTTGGGCCCTCAAAATCTTCCATTCTGTCTGCCGATTGTCTCCCTCGTGGTCTCCTTCAACCCGTGTTA  
ATCCATCTCATTCAACCCGTGTTCCCATTTGATCCCTCCTTCCCTTCGATTCCGATTTCACTTCTTCTTCTTCTT  
CTTTTCTTCTTCTTCTCCTATTTCCCTTCGATTCCGATTTCACTTCTTTTGGTTGCGGTTTGATCTTTGATTT  
GATTTGATTTGATTTCTGATTTATGAGGAGAAGGCAGGTGACTTGGGTCTCGGAGAGCTGATTGATGGCGA  
CGATTGAGTGTGGGTCAAATTTTTCATTGTAATGTTAACCCCACTTCTCAAAGTTTTGCCTTTCTTATAATCAA  
CTCAGTGGAAGCATACCTACACAACCTTTCATCTCTGAAGAAGCTCATTGTTATTGTTCTCCAATCTAATCAGTTA  
ACTGGTACAATCTCTGCAAGCTTGGGACGTTTGACTTGTAGTGAGACTAGACCTGAGCTCCAATCATCTGTT  
TGTTTTGTTCTTGAAGGCTCGCTGATGCGCTTCGCTTGAAGTTCTTGTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTT  
GCAATGTACCTCCTGGTACCAATTGATCTTTAAACCATTTTATAAGGAAGATGTACTTCTTATTTTTGTGTTCT  
GTTCAATTTTTGTTTTCTTTACATGAACTAACTAGAACATTGTTTTGCTTTTGTGTTGGATCTGATGAAGCTTTG  
AAGAGACTAAATGAAGGATTCTTGCATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4218 AY973620|Manihot esculenta auxin-repressed protein-like protein ARP1 mRNA, complete cds

GGGTTCTAAACGAAGGTTGGAAGTGAAGAAGTTGAAAAACAATGGTTCTGCTTGAGAACTTTGG  
GATGATGTTGTGGCTGGACCTCAGCCTGTCCGTGGCCTCGGCAAGCTCAGAAAAGTCAGTACTAAGCCCTTGA  
TCGTTAAAGATTTGGAAGGAGATGGAAGCAAATACCAAAGATCCATGTCTATGCCAGCTAGTCCGGGGACAC  
CCACCACTCCGGTCACACCTACCACGCCGTTAACGGCGGGCGCGTAAGGATAATGTTTGGAGAAGCGTCTTCAA  
CCCTGGTAGAACTTTGCTACCAAGACTATTGGTGCTGAAGTCTTCGACAAGCCTCAACCCAATTCTCCAAGTG  
TTTACGACTGGCTCTACAGCGGTGACACCAAGAGCGAGCACCGTTAAGTGGCGGCTACGACGGCGGTTGAAT  
GTAAATAGTGTCTGTAAGGGTCTGTTTGGTGACGTTGACCGGTGGGTTTTGGATGTTTATGTGATATTACA  
TGTCTAACTAGGTTTTTTAGCATCCGAGTTGTCCAAGCAAGTTTTTATATTGTAGTGTTGAATTTGTGTGAGTC  
TGAGTTAATTAGGGTTTAAAGTCTGCTGACACAGCCAATGATCGGATGACTACTTCATATGGTACCCCATCCAC  
GACGGTGATAAGTGGCTCATGATTGTCTTTAAATAAATATGGTTTCTCTCTTTTTTTTTCTTCTCTTAATG  
AGTTGATATTTTATGATGTTGATAGCCCTTAAATTGTGATAATCCAATCTTGATTACAAAGAGTGTCAAAAA

>trans\_c\_4219 AY055105|Arabidopsis thaliana AT3g15190/F4B12\_10 mRNA, complete cds

AACCATTCTTCTTCTCCTCAACCTCTGGAGTTTTTCTTTCAAGAATCGCCTATACATAAATGGCGGCAGCTGC  
AGTTACTTGCTTCGCTCTTTCTTCTAAGTTCGGAAATCTTCCCTTAATGGTTTTTCTCCTCTATTCCCGCTGCC  
CATCTTCTCCACCCTCAGATCTCTCAGTTTCTCCTCCAACATTTCACTTCCGCCTTCTCCAATGGGTGTCTGTC  
GATGAGGAAAAGTGAAGGATGCATCGTTACTCTGTGGTCTGCGAGGCCGCTCCTAAGACCAAAGCTGATTC  
TGCTGCCAAGAGGGGACGGCAGGCTGAGAAAAGACGGATTTACAATAAAGCCCGGAAGTCTGAAATTAATA  
CCAGGATGAAGAAGGTTCTGGAAGCTTAGATGGTCTCAAGAAGAAAGCCGAAGCACAATCAGAGGAAGTC  
CTTCCAATTGAGAAGCTTATGGCAGAAGCGTACTCCGTGATCGACAAAGCCGTGAGAGCGGGCACGCTGCAC  
CGAAATACTGCTGCGCGTCGAAAATCTCGGCTCGCCAGAAGAAAGAAAGCTGTAGAAATCCACCATGGCTGG  
TACACCCCGGATTACACGCGGCTGCCTGATGCGCTCTCTATTGAGGAATGAATGTGGAAGATCATTCTATTCT  
TTTTTGACGTAGATAAATGTCAACCTTTTTTTTTTTCATCTATTTCTTTACTTTTGTATTTAGTTTGAACCTTTTTCT  
ATGTCAACCGTTTAAGTTTCACTTCTATTTCTCTCCCTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4220 AF247005|Momordica charantia auxin efflux carrier (AEC3) mRNA, complete cds

TTATGGCTTTACAGCCAAAATAATTGCTTGTGGAACTCCATTGCTGCATTTGCTATGGCTGTGAGGTTTCTC  
ACAGGCCCTGCTGTGATGGCGGCTGCTTCAGTTGCTATCGGTCTGCACGGCAATCTCCTTCGTGTTGCTATTGT  
TCAGGCTGCATTGCCCCAAGGCATTGTTCCATTTGTTTTTGTAAAGAGTACAACGTCCATCCTGCCATTCTTAA  
TACTGCAGTCATATTTGGGATGTTAATAGCACTTCCAATCACTCTTGTCTACTACATTCTTCTCGGGTTGTAAAA  
TCTCACCATTACCAAAAAACACAATCAAAGTTCAAGACAAGAAGACTATAATTCTTTCTTTTACGTGCTGCAA  
ATGGATGAACGCCATCCCGAAGATTTGATTTTCGACGATGAAGTTAGCAAAAGAAAATTGATAAGAGATTTGA  
TTTTAGCCCCCAAATGATATTAACTCAAATTAGCTAACAAGGAAGTTCCTAATATTTGGGGAGAATACTTGC  
TTTGTGGGACCAAAGTTGAGTACAAAAAAGAGTTGAAAAGACGAGAGGAAGCAAAAGTAAAGGCTACTTA  
GGCTGCAGAAGAAAGGAGGCAGAAATAATGGCAAATGGGGAAACATTCATGAGGAAATCAAGGAAAGTAG  
TTCTCTCTCACCTCTATCTCTCTTTTTTCCACTTTGCTTGTAAGTTTGTAAATTTTCAATGTTTTGGTGTTCA  
AAGAAGAGGACAAATTTGACTAACTTTTATCATTTTATAAACCCCATATTCTCAAATAGGGATTTCAAT

>trans\_c\_4221 NM\_001065666|Oryza sativa Japonica Group Os07g0201100 (Os07g0201100)  
mRNA, complete cds

CAGTGCCGTGAGCACATTAGCAAGATTTGGTGTTACAGTTGAATCATTGAAGCCTCGAATATTTGTTCTGTTGA  
GACGATGTCTTTTTGACAATGACGATGAGGTTGAGATAGGGCCACCCTATATTTAAAACTCTTGGAGCTGA  
TGGTACAGTTGCTGAAACTGAGAAGGATGCGACTGACTTTCTTTTCGGCCCTCTAGATGTCCCACTGATCAATC  
TAGAAACAAGTTTGAAGAATTATGAGCCTTCTGAGGAACCTTTTGACATTGATTCCGTGCCCAAGGAAATCAA  
GTCCAGCCACTTGCTGAGAAGAAAGCTCCAGGTAAAAAGCCAGCTGGGCTTGGTGCTCCTCCAAGTGGCCC  
AACAGCCACTGTTGATGCATATGAAAAGCTGCTTTCTTCGATTCCAGAATTTGCAAACCTTTGGAAAACTCTTCA  
AGTCTTCAGCACCTGTAGAGCTTACAGAAGCAGAAACGGAATATGCAGTTAATGTTGTTAAGCACATTTTTGA  
TAGCCATGTTGTGTTTCAGTACAACCTGCACAAATACAATTCCTGAGCAACTACTTGAAAATGTCACTGTTGTTG  
TTGACGCATCTGAAGCAGAGGAATTCTCTGAAGTGATATCCAGACCTCTCAGATCACTTCCCTATGATTCACCC  
GGACAAACCTTTGTGGCATTGAGAAGCCTGAAGGAGTCCCCGCTGTTGGGAAATTTTCAAACATGTTGAGAT  
TTATTGTTAAAGAGGTTGACCCAAGTACAGGTGAGGCAGAAGAAGATGGTGTGGAGGATGAGTACCAGTTG  
G

>trans\_c\_4222 BT010561|Arabidopsis thaliana At2g15560 gene, complete cds

CCCACTGTGGCTCGTGGTGAAGGCTTTGCTCTTGCCCCAAAGTGTTGACTTCCCGTGGAGGAGCACCTGAAA  
TTTCTGGATATCTCAAGGGATGCCATATTAATGATGACCCGGATGGCCAAAATGAAGAGGAAGCTATTGTTTA  
TAGAGGGGTGTCCCAAAGCTATTTCAACGTGAGGGATTTTTAGTTGTATCTCATTCTCTATCCGAATACAATA  
GTAATTTGGCTGTTCTAGCGTAACTTCAACTTTGAGGTCGCAGAGTCTCCCATGTGGTTTGAACGAGGTTCCA  
ACAGGTGTTGTTCCGTGTGGAGACCAAAATGAGTCCACTTGGTGCCACAGACAGGAGACCTCCATGTTCTCA  
AGGGACAAATGGTTAAGTTGCTAGAAGTTTCTGGAGGATGCTTACCCATTACAAAGGTTTCGTGCTGAGTACCA  
GAGAGTTTTTGGCAGGCCACTCTACACATCCGAACCCGGTGTCAAGCTTGTGAATCTTTTTAAGAAGATGGGA  
GATGTCCTCGTTGTAGAAGGCAAAGGCAACAAGAAATCTGTCTACATTCGTAAGTCAAGATCATGCCCCGAGTG  
CCCCACCTTTGATATTATCAAGGAAAGAAAATAAAAAAGGTAAAGGTACATTGGAGGAACTGCTGAAGTTG  
CTCCAGGCATGGGCTCATCAGACGAATACTCGGAAGAAGAAAGGGTAGTTCATGAAGAACACGATGGGAAG  
AGAGGTGCAGGAAAAACCAACGAGACACCAGCAGATCAATGCAAAAACAACGAAGAACGCTGCATCGAGCT  
GTTCAA

>trans\_c\_4223 NM\_127916|Arabidopsis thaliana catalytic/ pyridoxal phosphate binding  
(AT2G23520) mRNA, complete cds

AGCATTCAACGTGAGAGACAAAGTTAGAGGGCTAATCAACCCAGAAATTGTACAGAGGCTGGCTGAAAGAG  
AGGGTATATCTCTTGAATTGGTTTCCTTAGTCACATACGAATCGTTGAAAATCCAAGACATCATAAAGGTTTG  
AACCTAGAAGACACCACCTTTGCAGACCCATGGAAAATGGGAAGCTCAGTGGAAGAGCGGGTTCATGCGG  
GTTGAAGTTGTGACTGCTTCTCTGGGATTTTTGACCAATTCGAAGATGTCTACAGATTATGGGCTTTTGTAGC  
AAAGTTTCTTAATCCAACCTTTATCAAGAGGGTGCTCTTCTACAGTTGAAGAAGGTTGGAAGTATAATACC  
TGAAGCAGCAGCTATTGACAAAGTAGGTACAGTTTCAAGAGCATGCCATTTGGACGAGAGGAGAGAGTATTT  
GAAATGGATAATTCAGAACAAACAAAGGGCATCCCGTAAACAATGGAAAGTGCATTGACTTCCCACACCT  
TCTCGGATGCTTTGATCTTCACTTACAGCTCTCCAGCACAAGCACATGAATTTGTTGATTCACTTATTTTTACT  
TGGATTGTTCTCTTTTTGAGTTAATTTCTGGTCTGAGCTCTGGAGAAATTGTTTGATCTCGAGCAGCCACGGC  
ACCATGATCTTGCTAGTATATAGCTCCAGAGAAGCTCAAATCTTGAATCTGTGTAAAAGAAGTTTAGCTTAGA  
ATTATGCCTGCAGTATTTAGCCAATGCTCAGAAACATTTCCCATTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4224 Novel Gene

ACACAAACAATCAAAACACTCGACAAAGTCTTCTTTCTTCCATTCTTCTCTCAAACCCAAGAAAAAAGTTCTC  
CTTTTTTCAAACCCTTCATCCATGGCGTCGCCTCTCTTCTCTCTTCTCTTCAACCATTTCTTCTCAATTCCTCTC

>trans\_c\_4225 AY072801|Cucurbita maxima phloem calmodulin-like-domain protein kinase PCPK1  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_4226 XM\_002880438|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat family protein, mRNA

>trans\_c\_4227 NM\_102692|Arabidopsis thaliana AWPM-19-like membrane family protein (AT1G29520) mRNA, complete cds

GACACAATGAACATTCAACTTTAACTCATTCTCCTCCCTACTTCATCTTCATCTCAGAAACCTTCTTTCTTCCATAT  
AGGCTACTGGAAGACATGAAGGCGATTGCAGCACCATTGTTCTTTAATTTCTGCATATGCATCGTCATTTT  
CGGAATCGGTGGCTGGGTGATGAATCACACCATAGATAATGGATTTGTTATTGGAGCTGGATTTGATGTTCCC  
AACTATTTTTCTCCAATTTCTTCCAAATTGGGAACTCTGCCACTGGGTTCTTTGTTATTTTTGCTTTGATTGCTG

CTGTTGCTGTTGTTGCATCTGCCATATCCGGAACTTTTATTTTCGGTTTTTCGGACGCTGCCAACCTGCCCCCG  
CCGCTTCAACAGCACTCGTAGCCTGCTTCCTAACTTTTCTTGCTATGGGGTTTGCTTGAAAGAGATTGCCATG  
ACAGTCACTAGTGGCCACTTGATTGCATTGGAGGCTCTCATGATTGTCCTTTCAGTTACGCAGTTTGTATACC  
GCAATCATTGTGTGGACCTCAACCAGCTAGTAGATTCTAGAAATAGCGTTCACCGAATGCTTTGTTGTGGGTT  
TGTTTTCAATTTTACTTTTTCTATTATTGTTTTCTTAAATCAAATCTTGGTCGAAATCAATGTAAAATGGG  
AGAACTTGCAATGTATTGGCAGATGAAGTACAGAAGATAATATGAGAATTGGTGTGCAAAAAAAGAAGAA  
TAATATTTCACTGACTTCGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4228 XM\_002888885|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA recognition motif-containing protein, mRNA

TGGAGATATGGACTCTGAGAAAAAGAGGTAGACTCCCCTATGATTATTACGGATTGCGAATTCCTCGAAATC  
AAACTGTTATAGCGCTTTCGGGTGAAACGCCGGAGAAGACGAAAAATGACCGCCGGCTTGTCTTTCACGGTC  
ACAGCTGCTCCAAAACCTTCTTTTCAGCTTCAGACTACTCATCACAACAATATCCGTTCAACCGAGACGCATAT  
GCGATTTCAAAGCTTTCATCCAAATTGGCTTACAGTTCTACGCCACTCCCCTTCTTCTGCGAGGAAGACTCA  
ATCAATTTTCAGAGTCACCGCTCTTTTCAGTGGCATGTGTCTTCTTTCACCTTCTCCAGAAGATACTCGCCTTC  
AACCAGACTCTACGTCACTGGACTTTCATTCCGGACCACTGAAGAGAGCTTGCGAAATGCTTTCAAAAGCTTT  
GGCCAACTTGTAAGTCAATCTGGTGATGGATAGAGTAGCAATAGACCAAGAGGATTTGCCTTCTCCGTT  
ATGCTTCAGAAGAGGAGTCTCAAAAAGCTATCGAAGGAATGCACGGCAAGTTTCTGGATGGCAGGGTGATTT  
TTGTGGAATTCGAAAATCCAGATCGGAGCTACGCCAAGGCCTTAAAGAAAATCTAGCTAATGCATGCTAGT  
ATATAGGCATCATTGTACTCTAAAGTTCAGATTCATTTTTATGAGAGCTGTAACATATTTAGGGATATATATAA  
CTAATGGTTGCGCTCTGCATTGTTATTGGTTTTCAAAAGCTTGGTCTGATTGTATGGTTATAATAATAGT

>trans\_c\_4229 NM\_128448|Arabidopsis thaliana PLL4 (POLTERGEIST LIKE 4); catalytic/ protein serine/threonine phosphatase (PLL4) mRNA, complete cds

AGCATTCACTTCAGCAAACCTTACCGCTTTTCAGCTTTCATGGATCACAGTACCAGTGTTGATGAGGAAGTGC  
AGAGAATAAAAAATGAACACCCTGATGATGCTGGTGCCGTGATGAACGATCGTGTCAAAGGCTCGTTGAAGG  
TACTCGAGCGTTTCGGGGCTGGTTTCTCAAACAGCCAAAATGGAACAATGCATTATTGGAAATGTTTCAGAAT  
CGACTACGTTGGGAGATCGCCATACATCAATTGTTTACCATCTCTCTACCACCATAGATTGGGACCAAAAGACA  
GGTTTTTGATACTATCGTCAGATGGACTCTACCACTACTTCACAAACGAAGAAGCTGTTTCCGAAGTTGAACTC  
TTCATCGCATTGCAACCCGAAGGAGACCCGGCTCAACATCTGGTTGAGTTACTGCTGTTTCGGGCTGCAAAAA  
GAGCTGGTATGGATTTCCATGAGTTACTCGAAATACCGCAGGGTGATCGGAGGAAGTATCATGACGATGTAT  
CGATCATTGTAATTTATTAGAAGGGAGGATATGGAGATCTTGTGTATAAAAAATAGTGGAAGAAGCAAGTA  
GATGATATAGAGAAGAAGTCACTAAAAGGTCAGGCTTTTTCTTTATGTTAATTTTTTCTTTTTCCCTTATCA  
CCATTGTAAGATGTAGTGAATAAAGTCTTGGAATTATCTCAAGAAGTAAATCCGCAGTTTACAAGGAGGTG  
GCAAGGAGATGTAAAGTGTAAAGCTTGTCTTTTTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4230 Novel Gene

TTTTCCACAAGCCCCATTTTCTTTACTTTTCTCTCTCTTTCTCTCCATTCTCTGTTTCAGTCAGATCTGAGGCTA  
TGTCTACCGGAACGGCGTCCTATTGGTGTTACCGCTGCAGCCGTTTCGTTCTGTGCTTGGGCTCAGGACTCCATC  
ACTTGTCTTACTGTGACGGTGGCTTTGTTGAAGCTATTGAAACCGCTTCTTCTTCCGGCGCCCAATCTCCAC  
CGTCGGTTATCTCCGACTGCGATCCATACTGTGGATCAAGATTCGTTTCAGTCTCCTCGTTTGAGTACCCGCCG  
TAGTCGTCGGAGATTTGGGGATCGGTGCACTTTTAACCTGTTGTTGTTCTTCTGTTGTTCTGCTGATGCCGGGG  
ATGTGGTTGGCGGTGGGGAAAGGAATAGCTTTGATATTTACTATGACGATGGTGCTGGGTCTGGGCTTCGGC  
CGGTTCCGGCTACCATGTCTGAGTTTTTGATGGGGACTGGGTTCGATCGGTTGCTGGAGCAGTTGGCTCAACT

GGAGATAAACGGGTTTGGTAGATCTGAAAATCCGCCGGCGTCAAAAGCTGCAGTGGAATCAATGCCGACGAT  
TGAGATTTTAGAAAGTCATGTGGATTCTGATTGCGACTGCGCCGTGTGTAAAGAAGCCTTTGAAATCGGAACT  
GAATCCCGAGAAATGCCGTGTAAGCATATATCACTCCGATTGCATAATCCCTTGGCTTTCCATGAGAAATTC  
CTGTCCGGTCTGCCGGCACGAACTACCCTCGGAGCGTGTATCTCCGGCTGGTGGGGTTTCCAAGAAA

>trans\_c\_4231 NM\_127829|Arabidopsis thaliana BRK1 (BRICK1) (BRK1) mRNA, complete cds

AAAAGTCATGAAATTGAAAGATTAAAGAAGAAGGAATTATTTTTGAAGAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAA  
AAAAAGGAAAAATCAAATCCAGTTTTGATCGGAGAGAGATATTTGTGTGTGCAGCTACATAATATAGTTTGGT  
GAAAATGGTAACCACAATGAACTCGCTTCGGGTGGTGGTTTGTTATGGTTATGCTATATTGAAATTTAGAG  
CTCAAACCTTGCCTTCCCCTTCAACACCGATTTCACCCATCTTCTATTGAGTTCGCGCCATACAGAAAGATC  
TCTTCTCATGGCTAGAGCTGGAGGAATTACCAACGCTGTAAACGTAGGGATAGCGGTTCAAGCTGATTGGG  
AGAATCGCGAATTCATCTCTCATATTTCCATCAATGTCCGTCGTCTCTTGATTTCCTCGTCCATTTGAGGCAA  
CAACAAAAAGCAAGTTGGCATCTTTGAACGAGAACTTGATACCCTGGAGAGGCGGCTTGAAATGCTTGAAG  
TGCAAGTCAGTACTGCATCTGCTAACTCATCTTTTTACCACCTAATGTTTACTTTACCTTGATAAAGAGACAT  
AGCTCCCTGTTATAGTTTTTGTCTTGTCTTCACTAGTGTAACGAAATATGAGGATCTTGTGTAATGATTATGTG  
TACACATTGATGGTAAAGTCATATCTGTCTAGTGCTTTATACTGATCTTCTTGAATTCTAATTCATGTTCTGTGC  
TTCAAGGAATATACACAATTAGGATCATTTTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4232 BT009700|Arabidopsis thaliana At1g15860 gene, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTAAATATTGAAT  
CGAATCTAAATCGGTATGAGAAATTAATAGGATACTTGCTTCAACAACCGTGCGGTATACATCAAATACATT  
GTATCAGGTTTCTAATTCTGCTTTGCTTGTAACCATTCACAAAATTGTGCGAGGATCAACGGCCAAGCGAGTTC  
CGAATCGTAGTTGCTCAAGTCTGGATACTAATCTCATTGCAGAATCGAAAGAAGCCCATCCATTGATCCATGT  
TAATAACTTTATAGTCAGTTTGTATCTTCAAGTATTCAACAAATGCATTGACTTGGAATGAACTGAGACCCC  
AAAACAAGATCCAGTAACTCGCATATACTCTATGTCAATACTCTTTGCTTCTCCTCTGTTAAACAATACCGG  
AATGCATAAGAATAGAAGTCCACAAAGTTTGATGGCCTCCTTACCTCTTCTCAAGATCTGGTAGTGCCTTCTTT  
AATTTACTAACAGCGTCAGCCCTCAGGGATTGAGGCCTGTTGCGCATTATCCAGGTTAAAGTATCCTTGTTT  
TTCAGATTTCATTTTCCAAGCAAGCATCAAGATCCTTACATCAGTGTGATCCACTTCAATGTCTGAACAAAGATT  
TTCAATTCCTTCTGGATCGATCAAACCAGAAGTGGGATTGGCGTACGAGTAAATAGGCTATCGATCCGTTCC  
AGCTCTTTGTGCTTGCTCTACTTGAGGCGGAACGAAAGAGATCGACGGCGGAAGA

>trans\_c\_4233 AB079577|Suaeda japonica mRNA for RelA homolog, complete cds

TTTGGGTTTGCAGCTCATTGGAGATACAAGGAAAGTGATTCTAAGCACTCTTCGTTTGTGCTTCAGATGGTTGA  
ATGGGCTAGATGGGTTCTCACCTGGCATTGTGAAACCATGAACAAAGATCGACCTTCTATTGGTTCTGTCAA  
CCACCCTGCAAGTTCCTTTTCACTCGTCTGATTGCTCCTACTCTTACAAACCTCGCTACTTTCAGGATGGACCT  
CTGTTTGTATAATGATTGAAAACGAAAAGACGTGGTCCAGGAATCCAGCTGACGCGACGATGATGGATC  
TTTTAGAAAGAGCACGAAGAGGAAGCACAAAGATGGGCTCATTATAGGTTCCCGATGAAGGAAGAGTTGAGA  
CCAAGACTGAACCATGAACCTGTGAGTGACCCCAAGTGCAAGCTGAAGATGGATGATGTGGTGGAATTGTCC  
CCACCAATACCCGACAAGTTGTTGGTTGAATACCGGGAAGAAATCCAGCGAATGTACGAGGGAGGCTTTACT  
GTAGCAACACCACAGCCTGCGGGTTGGAGGAGCTGACAGTTGTTTCGTTGCTCCTATGCTATGATTACCCAC  
AAATATCATGCTCAAATTGTGGATCAGATTCTTGTAGATAATTATAAATATTTGTACATATCTGGTATGCATT  
CAATGTAATCGGGTTTCAACTGTTATGATATATGCTTTAGATTACTACTTGTGATGTACTGATTATTAGCATTTG  
CTATGTTTATATAATTTTATTTGCCTTTTAAGGATTTCAAGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_4234 Novel Gene

GGGCTATTATTATCTTCTACTACTTACTTATTATTATCTTCTACTACTTACTCAGTACTCACACTCACTCCCACCAA  
CAATGTTCTCTCCTTCATTCTGCTGTTTCCACCCCTCCAACACCCCTAAAACATCCCCCTGTTCTGGCTCAAATC  
CACCGCCCTTGAACCTCTCTCACTTACTTCGCCGCTGCCGCTATTTCTTGCTCGGGTTGCTCGTCGCCGGACAAA  
CTACCTTGCTCCGCTGACTTTTCTACGATTCTTCCAGTTATGCCCTTAATTTGACGACGATTGCCGTGACGA  
CCATCAGTTCCCCTTCAGAGATTTACGGCTAGATTCCCCCGCCCTCAAGGACCGTCTTCGGCGCGCTACCA  
AATTCGCCGGTTCTCATCATGAAATCCCCATATCCCCCTCTCGTTGATTATTATACCACCGATTTTGAGATTTT  
GTTGTAAATTTCCCCCTACTGCCAGTGGAATTGTAAATATCATATCATATATACATGGTAATTTCTTTTTCTT  
TTTCTTGTTTTTCTTACTTGGGTGTTGATGAAATAAATATTCAAATCGTTTTCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAACATCTTAGAATTATAATCCCAATAAAGGCACTTTTTTTTCTTTTTTTGGAGGGGGGATGATTGGGGAA  
AATCTATTTTCAATCGAACAACAATCTTGACTCAAAAGTGGAATGTAAATGTATGAACAAATGTATTATTAT  
TATTGGTTAATTAACACGTTGATTAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4235 NM\_106040|Arabidopsis thaliana calmodulin binding (AT1G73805) mRNA, complete cds

TAGTTAAAGACCATCGCGGTGAATTGTACAAGAAGCATTATCCACCAATGTTGAATGATGAAGTATGGCGATT  
GGAAAAGATTGGGAAAGAAGGAGTGTTTTACAGGAAATTAAGCGATCACAATATCAAGACAGTTCAAGAATT  
TTTACAGCTTTACACTATTGATCCACAAAAGCTAAGAACGTTTTTAGGTGTAGCAATGTCTGTAAAAATGTGGG  
AGGCAACAGTAAAACATGCCAAAACCTGTGAATTAGGAAGCAAGCTCTACTTGTTCCGTGGACCAAATTTCTT  
GCTATTTTTGAACCAATTTGTGAAGTTGTTAGAGCCATGATTGGAGAACAATATATTCGTCTCGAGACCTCC  
ACAATATACCCCAGGATTACTTGAAGAATTTGAGGAGACAAGCATTTGACAACCTGGGCTTCTCTACAAGACTT  
TGAAGGAACTTAAGAGAATCATTGTTATTAACACAAGGCAATGAAGGGAGTGAGTTTTTAGTTGGGAAATC  
TTTGCTTCAAAGTAGCTATGAGTTTCTAAGTGGGCAACTCGAAAGCCAAGATTGGGACTCCAATTCGATAAT  
CATCAGTTTAACATTTCTGCAAGAATCGAAGGGAATTTTCACTGTAATTTTGGATAGTCTGTTCTTCATTGTGAT  
TACATCACAATCACTATTAAATTGGCTGTTTTGTACAAGCAGTTTTCCACCAATTCTCACCAAGTTACACCTCC  
AGACTACTACTATTCTATGGTCAATAAAATTCACTTTTGTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4236 NM\_127537|Arabidopsis thaliana clathrin adaptor complex small chain family protein (AT2G19790) mRNA, complete cds

AGATTTTTGGTCGCCGGCGTGAGTGTCATCGAGATTGTGAGAAGCAGAATGGGGATCAGATTATTCTCATG  
GTGAACAAGCAAGGCCAAACCCGCCTCGCTCAGTATTACGAAAATCTTACTCTTGAAGAACGTCGAGCTCTTG  
AGGGTGAAATTGTTGCAAATGTCTCGCTCGTAACGAACAACAGTGTTCCCTTGTGAGCATCGCAACTATAA  
GATTGTATATAGGCGATACGCATCTCTTTTTTCTGGTTGGAGTTGACAATGATGAAAATGAACTGGCAATAT  
TGGAATTCATTACCTTTTGTTGAGACCATGGACCGTCATTTGGGAATGTGTGTGAGCTAGATATAATGTTT  
CATCTAGAGAAAGCACATTTTCATGCTGGAGGAGATGGTCATGAATGGGTGTATTGTAGAAACAAGCAAGTCA  
AACATTCTATCCCCAATTCAACTGATGGAGAAATCATCATGAAAAGCTACCACTGTTTTCTTTGATGCAAAATC  
TTGGCTGTCTTTACACAGTACTTCATTAAGGTATAAGATTAATGTCAATGAATTCATTGATGACGTTCAAAT  
GAGTAAATATTTGAATCTAATTTCTGTTCTCGATGAATTCCTTCATTACACGGAGAACAATATTTTAAGTTTAT  
CACGTGTTAATTTGTAATGAGTGCACAAAGATGGATACAATTTGAAATGCAAATATTTTCAAGCTAAATAAA  
GCTCTAGGATCCATTTGGAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4237 AY108375|Zea mays PCO088737 mRNA sequence

CAGTGTACATTATCACGGAAGGAAGTGAACCCCTTTCTTCACACGATTTTTTAAATGGGACTCTGCAAAGTCC  
TCGATGCACGGAACTCATTCCAAAGGAACTTACAATAGTCAAAAGTGGGGGCACTCCTACTGTAGATAAAC  
CAAAGCGAAGAACACCAGTATCGTATGGTGGGAGATCTGCAGTGCCAGACAAGTCACAGCGCTCTAGGAGCA  
TGTCTTTTAGTCCTGAAAGGGTTCGTGTAAGAGGGAGGTCTCTGCTTTCAATGCATTGGCTGCTAACTTCGAG  
AACCCCAATGCAAGAAACCTTTCACTCCACCCCTGTTGTTAGAAAGATCTATCCGAAATCAATGACCCCTGA  
TTCAGCAAAATTAGTTTCTGCAAAATCAACGTCGATAGCAGCTCTTAGTGCTAGCTTTGAACAGCCACCACCTG  
CTCGAGAAGCTATTATACCACGTTCAATAAAAGTGAAGTCCAGAGCCTCCCAAGCCTAAACCAGAGACTAATAA  
TAATGATAAACCGGAGACTAATGATAAGGAGAAGGAGAACGCAAAGACAGTCAGAATTGAACTCTCACCAT  
ACAAGAAGATGTGAAAGAAGGTGAGGCTGAAGATGATGATGGCCTCACAATATATCCATATGAGCGCCTAAA  
AACTACATCAACCGACCCTGTTTCAGACATTGATGTGACAAAACGAGAGACTTACCTCTCATCAGAAAGAATC  
AGGCAGAAGTTTGAATGACTAAGGACGCATTTTATAAGTTGCCAAATGGGAAACAGAATAAGCATAAAT  
GG

>trans\_c\_4238 Novel Gene

ACCTTCCGAATTGCTACTCAGAATGGCGAACACAGCTTGTTTCATCATCGTCAGTAGGAACAATATCCCAATTT  
ATGAAGCTGAAGTCGGATCTGCTGTTAAAAGAGAGGATTCCGCCAGCTGCATCAATTTATATTGCATGCGTC  
CCTTGACATTGTCCAAGACCTGGCATGGACTACTAGTGCCATGTTCTTGAAAGCAGTCGATAGGTTCAATGATT  
TGGTGGTGTCTGTCTATGTAACCGCTGGTCATACGCGATTGATGTTACTTCACGACTCTCGCAATGACGATGG  
AATCAAGAGTTTTTTTCAAGAGGTTTCATGAGCTTACATAAAGACTATACTCAATCCTCTCTACTTGCCTGGATC  
CCGCATCACGTCTTCACATTTTGACACAAAAGTTCGCGCACTCGCAAGGAAGTATCTCTAGTCATCACCTTCATT  
GCAGACCAAATGTGCTTTCATGACAATGCTTCGAAGTTTATAGTAGCCCTAAGTTTTCTTTTAACTGTACAACAT  
TTTAATCTTTGCCATTTGTGGTCTGACATCAATCAATTCAGTAGTTAAATAATTCTCAATGTGTAATATTGACT  
TTGGAATGGCTTGTTACGAGTTGGAATTGCACTTCACAGTAATGCGTTTTGCCCTTTTTACTCATCTTTGTTG  
TAGAGAGTACTATCATTATTTGTTGTTATATTCTATAAGGCAGTGATATGGGATATTAAAGTTGTGGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4239 Novel Gene

ATTTTCCATCCGCAATATCCAATTAATCTCCTGCCAAATCTCTTCTTCTTCTCTTTTGTCTTTCTTTCTTTT  
TTCATCTGGGTCTCTCGATCTTCTTCAAATTTGCTCTGTTTTAATGGCGGTTCTCCCATTTCCATGGACCAAAT  
TGCAACTTGGAACCTTCGTCTTCTCCTTCTTCTTCTACGTTTCTCTGATCGTGATTCCGGCGACCACCTCACC  
ACAGCCACCCTCGTCTCCACCAGTTCTTGATGATGAATGTAACAAAATTCTCAGCAGCAGATGACCATTTTC  
TATAATGGTAGAGTTTGTGTTGCGGATTTTACAGAGGATCAGGCTAAAGCTATAATAATGCTTGCATCAAGAC  
ACGTCGAGGAGAGATCGACAATCCTCAACAGAAATTGGAACCTCGATCTACGTCGCCGGAGCAGTGTCATC  
GCGAAGCTGTTTCTGGTTCTGGTTCCGGTTCCGGTTCCGGTTCTGGGCTCTCTATGAAGCGATCTTGCAGAGG  
TTTTTACAGAAAAGGAAGAACAGGATTCAATCTGCTTCACCTTACAATCATTAAACCATCCACTGATCCACTTTCT  
TCTTTTCTTTTCTTTTATTATTTTCTGAGATCTGATTGATATATGTAGCAACATTTAGACTTTTGCTTTGTAA  
AGAACTTACTTTTCTGCAGCTTCTTCAATGAAAATTTTGAAGATCAAAAAGAGAAAAAGGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAACTCTTTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4240 EU165371|Glycine max alanine aminotransferase 1 (AlaAT1) mRNA, complete cds

AGAAATTACAAGAAGAGTTATCGGCAAAGCCCGGTTTACATCCTTTTGATGAGATACTCTACTGCAACATTGG  
AAACCTCAGTCCCTTGGTCAGCAGCCAATAACTTTCTCCGTGAGGTCCTTGCAATTGTGCGATCATCCTGCCA  
TTTTGGACAGAAGTGAAACACAGGGTTTGTTCACTGATGCCATTGCAAGAGCCTGGCAAATTCTAGACCA  
AATACCTGGAAGAGCAACTGGTGATATAGTCACAGTCAGGGTATCAAGGGTTTTCGTGATACAATTGCTGCT

>trans\_c\_4241 EF137905|Helianthus annuus plastid enolase (ENO1) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

>trans\_c\_4242 NM\_001064473|Oryza sativa Japonica Group Os06g0581300 (Os06g0581300)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_4243 EF464674|Gossypium hirsutum GDP-mannose pyrophosphorylase mRNA, partial cds

CGCCAAATTAATTACCCATTTGTGTAGATTTCTGATTTTTCATTTCTTACATCGAGAAATCGCAGTTTATTTCAA  
GGGATTCTTGATTTTGAGATTAGCTCATTAGTGGGTTTTGGGATCTGTTTTGCTTCGATTAACGATGGGGGGC  
ACAGAGGAGAAGGTTGTAGCTGTGATCATGGTCGGCGGTCCCACTAAAGGAACTAGATTCGACCTCTGTCAT  
TGAATATTCCCAAGCCTCTTTTTCTTTGGCTGGACAACCAATGGTTCATCACCAATTCAGCTTGTAAGGA  
TTCCAAATCTGGCTCAGATTTTTCTTGTTGGTTTCTATGAGGAGCGTGAATTTGCATTATATCTATCTTCCATTC  
TAATGAACTGAAAGTTCCTATTAGATATTTGAAGGAACAGAAGCCACATGGTTCGCTGGTGGACTTTTTCACT  
TCAGAGATCTGATCATGGAAGACAGTCCGGTTTTCTCACATATCTTCTTGCTGAATTGTGACGTTTGCTCGAGT

TTTCCACTCCCGCAAATGCTAGATGCTCACAAAAGTTATGGAGGGATGGGAACAATCCTCGTAATCAGAGTAT  
CGGCTGAGGCAGCTCACCAGTTTGGAGAGTTGGTTGCAGATCCAACAACAAACGAACTACTTCACTATGCGG  
AAAAACCCGAAACTTTTGTCACTGACCTCATTAAGTGTGGCGTTTACATATTTACACCAGAAATATTTTCTGCAA  
TTCAAGGCGTTTCGACGCAGCGGAAAGAGAGAGCTAACTTAAGCCGATTGTCTAGCTTTGAAGC

>trans\_c\_4244 XM\_002892160|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thioesterase family protein, mRNA

ACCGTATGAAATTGGGAACAGGAGATTAAGCTTACAGAGTCAGTGGTGATGGAGAAGACAAAGAGATACCT  
GGAGAAGCTTGGCGATGATGCGTCCGCCATTGATGTCCTTCCCTTCAGGTTTTATGAAAACCTCATTATGACTG  
GTATTGCGGTTGATCTCATCAACCTGGTCGTATCCTTTGCTCTCTCAAAGTCCCTGCTCGTTTGCTCGTGCGTG  
ATTTCTCTCAATCCACCCTTCTTCTTTCGATTCACTTCTTAATTAGATCTCCACACTCTTTATTTTACCTATTCCT  
CTCTCTCCTTAAATTTTATTTCTCTGTTTACTTCTTCATGTTTCACTATTGGAGATAGAACGAGAACAATTCCTTG  
CACGGAGGTGCTTCGGCCTCACTCGTCGATTGATTGGTTCTGCAGCGTTAAAGACTTTGGGCGCTACCACCA  
CCGGAGTCTCCCTCGAAATTAACCTCTCTACTTAGATGCTGCTTATCTCGATGAGGAGATCGAGATCGACAGC  
AAAGTTTTGCGCATGGGAAGACCATAGCAGTAATTAATGTGAATTGAGGAGAAAAAGCAATGGTAAAATT  
ATTGCTCAGGGTCGCCACACCAAGTACCTTGCCTTCTCAAGCAAGTTGTAGTTATAAACATCTTTCAGTATTTTG  
ATCTTGATTGCCAAACCATATTCCTCTGCTTCATGAATTGACATTGCAAATTACTTTTGTAGCTTCCACTGAAA  
GAAATGTAACGATAATAATCTTTCTAGACTTTGCTATTGTATTAATTCGTATAATCTGT

>trans\_c\_4245 GU732481|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D57)  
mRNA, complete cds

AAATTTCAAGTTCACATCAATTTCTCTCTCACTATAACACCTAACTCTCTCTCTCCACCGCTTCTTTTACAATATG  
GCTGCCGGAGACCGGTGCGATCCGCCGCGCCGCCCAATTCCAAAGAGACCCGCTACAGAGGCGTCAGAAAAG  
AGGCCGTGGGGTGCCTACGCTGCCGAAATCCGGGACCCACGTAAGAAGACTAGGGTTTGGCTTGGCACATTC  
AATACTGCGGAAGAAGCGGCGCGTGCTTACAACACGGCTGCGCGTGAATTCAGAGGCGCAAATGCCAAAAC  
AATTTCCCTGTTCAAACCATTTCTTAATCGTTGATAACAACCACACCAACTTCATAAATCCGCTTGAGTAGT  
AGTCCCAGCCACAGCAGCACCGTCGAGTCCTTCTCCCATCGCCAACGCCGTCGAATCCTTACCTCGACGGAG  
GCATCCACGCGCCAGGCATTTCCCGTCCAATTTCTTCTCGATGCGTTTGCTCAGGCGGAGAAGATCAGTGAC  
TTTCGTCGTACCGTTACCGCCGCCGCCGGTGCAAGCGACTCCGATTCGTCATCTGTAGTTGATTTGACAC  
TACGCGAAAATCCCGGCCGTTGGATTTGACCTCAATCTCCAGCTGTGGAAGTTGTTTGAGGATCCGTGTTTT  
TTTTTCTTTTCTTTTTCATTTGAATTTGAACTAATTTCTAATTTAATATCCGTAAAATCCATTTCAAGGATTG  
AATGAAATATTCGACCAGAATGAGATTAGAAATATATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4246 AB273718|Nicotiana plumbaginifolia NpLRX1 gene for leucine-rich repeat/extensin,  
complete cds

AATCCGTCTGAGAATGTTTCGGTTTCGGATCCTGGATCGCCTTCCCCTGTTGTGCCGTGCGCGACTTGTGTGAC  
TTCGATGCCCAATCTTCCCCAGTTAAACCCGTCCCGACACGCCGTGCGCGAGGGCGGAGCCGGTTGATAAA  
ACGCCGGAGAATTGTGAACCTCCGGCTATACCTTTCTCTCAACCGCCGGGTATCCGAATAGCCCGATGATGC  
ATTATTTCCCGGGAACAAATTATCCGGGTCAACCAACAGGTTGTATACGTTCTTCCCGGACAGATTCCGCT  
GGAAATGTTCCGGTCCAGCATATTCCGATCCAGACTCAGCCGTCGTACGTTCAACAGTTCCAACCGGTGGGTG  
GCGGTCAAGTGCCCTTAGCATATCACCACCCAGTTACGATGGGCGGTCAAGTGTACGGGGGAGGAATGGGTG  
CGGTAAGTGGTTATGATCCACAGGCGGAAGCGGTGAGGATGGCTGCTGATGGCGTAAGTCAGCAGATGTATT  
ATGGAGTCCAAAATGCTGCGAGGGTCCGCCGTATGCGATGGGTATGATGGGAGGTCCGGTGGCGGAAGAA  
GCTCGGGGAAGTGGATCGGAAACAAGAACGGGTAGCAGAGTATCGCCATAGCAATAGCAAGAGAGGGTTG  
AAAGTGAATTTGATTAAAATTGGGATTTGTAATTAGTGGTTAATTTTGGGTGTTGGGTGATTGATTAAACCCAT

AATGTAAAATTGGTGTTCCTCAAGCTGCAAATACCATATTTTACTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_4247 Novel Gene

ACTTGAATGAAATCAAGGATTCCGTCGTTGCTGGTTTCCAATGGGCGTCGAAAGAAGGTGCATTGGCGGAAG  
AGAACATGAGAGGCATCTGTTTTGAAGTTTGTGATGTGGTGCTTCACGCTGATGCCATCCACAGAGGAGGTG  
GTCAAGTCATTCTACTGCTAGAAGGGTAATCTACGCTTCTCAGCTGACTGCCAAACCAAGACTTCTTGAGCCA  
GTGTACCTAGTGGAGATTCAAGGCTCCCGAGCAAGCTCTTGGTGGTATCTACAGTGTCTTAACCAAAAGCGTG  
GGCAGCTCTTTGAGGAAATGCAAAGGCCTGGCACACCTCTTACAACATCAAGGCATATCTCCCTGTCATCGA  
ATCATTTGGATTCTCGAGCACTTTGAGAGCTGCAACTTCTGGACAGGCATTCCCACAGTGTGTGTTTGACCATT  
GGGAAATGATGTCTTCGGATCCATTAGAAAAGTGGGTCTCAAGCTGCGCAGTTGGTTGCTGATATCAGGAAGA  
GGAAGGGGTTGAAGGAACAAATGACTCCGTTGTCCGAGTTTGAGGACAAGCTGTAGATTGCAATCGCATTGT  
TGGTTAATATATTTAAGAATCGCCATAAATCCGCAGTTTGAGGTTCTAATTTCTATGGGAAGTTTTTTGTTA  
TTTGAAAAGATTGTTGTTATGTTGAGTATTTATTTGCAATTATTTTAAGAACTGTTGTTACTCCATTCTTT  
TAAAAGATGCGTGATGATGGGCAAAATTTTGAGTCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4248 NM\_001125678|Arabidopsis thaliana CPuORF48 (Conserved peptide upstream open  
reading frame 48) (CPuORF48) mRNA, complete cds

TACTAAAGATTGGATCAAGGCCGTTCAAGTTTTATTCTTTAATCTTTCAAGATCTTCTCTCCGTGGGGTTTCTTTCT  
CATAAATCGAAATCTTTGTGCGTGGAACCCCCGACGGGCAGGATGTATTTTCCTTGAAACAGATTGGGGTTT  
CGGATTCCATTGGAATATTCAGGAAGGCCTCTAAGCCTCTCGTGATAAAGGGCCAGGGACACGAGATCCCGTT  
CGATGACAATACTTTTGATTTTATTTTTTTGGGCGTTGGTTCGCTTGTATCAGTCTTCCCGGCCGCGCAGATTTTGC  
CAGAGAAATTGCTCGGACGCTGAAACCCGAAGGGTTTGCTGTTGTCCAGATTAGAGCTAAAGATACGTACAG  
TTTTCACTCATTCAATTGCTTTGTTTAATTGCTGCAAAATAGTTACGTCGCAGGATATAAATGGCCCCGATTCTTC  
TATGCCCTTCCTTCGCCAGATTGTTCTGACGAAGGAGAGTGACGACATTTTTGGTCATGATGATGTGCTAACGC  
ATCAACCGAAGTCTGATGGTAAGTGTCTATTCCCGGATTCAAGGAAGAGTTGATCCGAAAGGCCGAGCCATT  
GATCTTAGAGGAGCCACTGAAGCCATGGATTACATTGAAGCGGAATATTCAAAAGATAAGATATCTTCCATCA  
ATGGCTGATATAAGCTTCAAGCAGAGGTACGTTTACGTTGATGTTGGAGCAAGGAGTTATGGCTCTAGCATAG  
GAAGTTGTTCAAGAAGCAATATCCGAAACAGAACAAACCTTCGATGTTTACGCCATTGAAGCTG

>trans\_c\_4249 Novel Gene

ATTCTCTAACCATTCAATTTCTTCTCTACCTCTATCACCATTTTTATGGCCTTCCTTCGGGACGTCTTCTGATTC  
TTCTTCAATCGCTAACCCTCCATCTCTCTCTCTCTCTCTCTCACAAGACAGATCCCTTTCTCCCTTCACATTCTT  
TTCCGATTCTATTCCGATCGTTCCAGAGGATTATTTCTCCATTATTATTATTATTAGTCCTTTCCCTCGGC  
GTCGTCTCCATGGGGAAGTTAGTCGAGATTCTTGACGCCGGTGCCAGGATTGTTGCCAGATTTTCATTCCCAT  
GCCCTCAGACTGGTCGGATGTACTACCATCTCCCGCTAACTCCGACGACGGCCATCACTCTGAAGAGTTTCGC  
CTCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGGCGATGGCGATGCGGCGTCTCATCAGATTGTTGCTTGCGATGTTGCCGA  
GCGTACTGCTGCCGCCTTCTAGTTGTACCGTTGAGAGTAATGAGTTCACTTTACTCTGTCTGATTGTGATA  
TTGTTTGAATGGAGAAGTTCTGGAATGTTCTGTGAGAGAAATTCCTCTCCGATCGTGATATAAAAAATTGGA  
AAAATTAGTTTTGGATTTGTCTTTTCATTTTTTTAGAATTATTTTTATATGCTTATTGTTGATGACACGATTTTCGT  
TCGTTACGAGACGAGGACTGATCGTATTCTGATTCTTCGGATGAATGATTGACGAAATTCGAAATTGATGCTTT  
TCAAATCTACCGATTTCTAGCTAAGTGTCTTGCTATTGACTTACGTATCGATTG

>trans\_c\_4250 AF134732|Prunus armeniaca 60S ribosomal protein L1 mRNA, complete cds

AATTCTTTCCCTTCGTTTTCTCCTCTGTTCTTCACTTCACACACAATCACTCTCTCCAATGGCCGCTGCCGCCCG  
CCCCCTGGTCTCCGTCCAGTCCCTTGAAGGGGACATGGCTACCGATGCAGCGCCACCGTCCCTCTCCGGAC  
GTCATGAAGGCTTCAATTCGCCCGGACATTGTTAGCTTTGTCCACTCCAACATCTCCAAGAACAGCCGTCAGCC  
TTACGCCGTCAGCAAGCGCGCCGGTCAACAGACCTCCGCTGAGTCCTGGGGTACCGGACGTGCTGTGTCTCGT  
ATTCCACGTGTTCTGGCGGTGGTACTACCGTGTGGTCAGGGTGCTTTTGAAACATGTGTCTGGTGGTC  
GAATGTTGCTCCGACTAAGATCTGGCGCCGTTGGCACCGTAAGATCAATGTGAACCAGAAGAGGTATGCTG  
TTGTGTCGGCTATCGCTGCCCTCGGCTGTTCCATCGTTGGTCTTGTCTGCTGGTACCGAATTGAGTCTGTCCCT  
GAATTGCCCTTGTGTGAGTGACTCGGCTGAAGGTGTTGAGAAGACCTCTGCAGCAATCAAGGTTCTTAAAC  
AGGTTGGGGCGTTTCTGATGCTGAGAAGGCTAAAGATAGCCATGCGATCCGTCCTGGTAAGGGTAAATGA  
GGAATCGTCGTTATATTTCTCGTAAGGGTCCATTGATTGTTTACGGAAGTGAAGGTGCTAAGCTCGTTAAGGC  
CTTCCGTAACATTCTGGAGTTGAGATTGCTAACGTCGAGAGGCTTAATTTGTTGAAGCTTGCTCCTGG

>trans\_c\_4251 Novel Gene

GTGGCGGTTGCTGCATGTTTAAACAAGATTATGTATAATCATCACTACTGACATTGGTAAACGACCCAAAGAA  
ATTTGATTATAATTCAATTCGTGACGATCATAAGTAGAAAGTTCATATTCTTCAGTCATTGATAAACAATTTGTT  
GGACAATATTCAACACAGTTACCACAAAATATACAGATCCCGAAATCAATACTGTAATTAAGCAATCGTTTCTT  
TCGAATATCCGTTTCCAATTTCCAATCAACAACGGGGAGATCTATAGGACATACACGAACACATACTTCACAAG  
CAATGCATTTATCGAATTCAAAATGGATTTCGACCACGGAAACGCTCCGATGCTATTAATTTTTCGTAAGGATAT  
TGAATAGTTACAGGCAAACGATTTGCATGGGATAAAGTAATCATGAAACCCTGACCAATGTACCTTGACGCTC  
GTACTGTTTGTGACCATAATTCATGAACCCAGTTACCATAGGGAACATATTATAATATCTCTAAAGAATTTTAT  
GTTTGTTTCTTTCTTGTGTTGAGCAAGTCGTGAATATAGAATATGGTATTCCTTTACAATGAAAAGAGTTGAA  
AAGATGTTGTTAATAATAGATTACCGAGAGATATAGGTAAAAGAAATTTCCATCCAAGATTTAATAGTTGATCT  
ATTCTTAGTCGGGGTAAAGTCCATCTTGTGCTATAGAAATGAACAAGAACAAATAAGTTTTCGCTAATGTAAT  
AAAGATACTAATTGTCATTCCAAAGACTTCATACACTTTCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGG

>trans\_c\_4252 GU082332|Triticum aestivum cultivar Xingzi9104 elicitor responsive gene 3 (ERG3)  
mRNA, complete cds

ATCTCGCCGCATCCTTTCCACGCTCCCACGCTGTTTCTCTCTCTATAAAATATATACATTTCAACAAATAATTCT  
CTTACAAATCCCAATTCATCTGAAAGGATCGAGATCCAAGGCAGTAGGGACACAAATTCCTGCTCTTTCTTCA  
AATCTCCAAAATGCCCGCCGGAAGTCTTGAGGTTCTTCTGTTTCCGCCAAGGGCCTTGAAAACACAGATTAC  
CTCTGTAACATGGATCCCTATGTTACTCTTACGTGCCGCTCACAGGAGCAGAGAAGCAGCGTTGCATCAGGAA  
AGGGATCTGACCCTGAATGGAATGAGACATTTTTATTACCATATCTGAGGGTGCAGAAGAACTTATCCTGAA  
GATATTGGACAGCGATTCTGGCACGCAAGATGACTTTGTTGGTCAAGTAAAAATTCCACTGGAACCTGTATAT  
CTTGAAGGAAGCCTCCAGAAACAGCATACAACGTGGTTAAGGATGAAGAATACCGTGGAGAGATCAAAATT  
AGCCTTAAATTTTCTCCTGAGGAAAGGACTGAAAGAAATTTTCAAGTGGAAGAAGAAACTTATGGTGGATGG  
AAGCAGTCTTCATTCGCAGATTGAGAACCACACCGCTCTATGATTGTTAATTGTATGGTTTGAGAGAATTCGT  
ATCCTATTTATGTTTCAGAGATTAAATTTGTTATGTAAAGAACTGCTTTGACGTTGATGGCTGGATTTTTTTGC  
TTATGTTGAGCTGGAATGCACTATCGAATGTCTGGAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4253 NM\_127967|Arabidopsis thaliana MIF4G domain-containing protein / MA3 domain-  
containing protein (AT2G24050) mRNA, complete cds

ATCTCCTGCCCGACCAAGTTCATGCCTGTCGCTCTCAACCCTAAACCTGTTGCTCCGTTGCACCTGTCGT  
ATCTTCTCCTCAGAAGTCCGCAGTTCTGCTACATCCAATTTAGCTGATCTTCAAAAGAAAACCGTTTCGCTGCT  
TGAGGAGTACTTCAGTGACGGATTCTTGATGAAGCTCTACAGTGTGTAGAGGAGCTGAAATCCTCAGCTTAT

CACCCTGAGGTTGTAAAAAATCCCTTACCATGGCACTTGAGAAGATTCCACCACGCGTAGATCCAGTTGTAA  
GCTTCTTGAGCACTTGCTTTGCAAGAATGTCTTGACTGCAAAGGATATAGGTACTGGGTGCTATCTATACGGTT  
CACAGATGGATGATATTGGCATCGATCTGCCAAAAGCGCCAAACAATTTTGGTGAGATTCTCGGGATGTTGAT  
TTTGATCGGGGGTCTGGATTTCACAGTTGTGAAGGAGATCCTGGAGAAGCTGGAAGATAACTACTTCCAGAA  
ATCCATATTTGATGGTCTATGAAGACCCTCAAATCTAGTCCTTCTGGAGAAAGAATTCTTGCAACTCAAAGCG  
TTGAGGTCCAGGCATGTGAAACTTTACTTGCGTGAATTGAGTCATGTGGGATTCAATTTCCATTACGTTTTTGA  
TCAAAAAAATTTTCATTTTCATGTTTTACGTTCCGATCGCGAAAAAGACAAATAACTGATCATTTATATTGAGTTG  
TATATTTCTTCTTTCTCCTTTTTTTGGGGGGGGGGGGGGGTTCTATTCAGTATCAACTTTG

>trans\_c\_4254 AF249734|Arabidopsis thaliana ania-6a type cyclin (RCY1) mRNA, complete cds

ATATCTAACCCACCTTTGTTCCAGCATTGATCCTCTCCGACACCGGCGTTCTCCTCACTCTTCCGGTGGAACCA  
TTTTGCGGAGCAGCTCTTCTGCTAGGACCCACGGTACGGCAGTGGATTCTACTCTGGCGAACAACGCGCGGC  
ACGGCTAATCTTCTGGCATCTCCCTGACCTGTGTGAACTTCCCTTCAGCGACGTCTCTCTCTCGCGAATCTC  
TCCCTTCCGGTGACCTACACTTAGAACTGACGTAGAATTGTAGTGGAAGCCTTTCGTGCACGAACCAGCAA  
AGACTCACTCGATTTAAGCGGTCTGATGATTTACACGGCCATCGACACGTTTTATCTAACTGATGAGCAGTTAA  
AGAACTCACCTTCGAGAAAGGATGGGATTGATGAAACCACTGAAACCACCCTGAGAATCTATGGTTGCGATCT  
CATCCAAAAGGCTGGCATATTGCTTAAATTGCCTCAAGCAGTCATGGCTACAGGACAAGTCTTATTCCAACGAT  
TCTAATGCAAGAAATCATTTGCACGCTTTAATGTCAAGAAAGTTGCTTCTAGTTGCGTGTGGCTTGCATCAAG  
TTGGAGGAAAACCTAGGAAAGCCAGACAAGTAATTATTGTTTTTACC GAATGGAATGCAGGAGAGAGAAAC  
TTACCTATAGAGTTCTTGACCTTCTCTCAAGAAATATGCAGACTTGAAGACAGAGTTGAGCAGAACAGAGA  
GGCATATACTGAAAGAGATGGGTTTCATTTGTCATGTTGAACATCCGCATAAATTCATATCTAACTA

>trans\_c\_4255 BT024736|Arabidopsis thaliana At4g25030 mRNA, complete cds

AATTACAAATTACAATTGCTCTGCTTTTGCACACTTAACTGTAAAGCAACTAATGACTTGAGTCATGAACGGA  
GACAATTCATCTCCCTTCTTTCAGCATTGCACTGTGTTCCGTAGTACAATTAATAAAAAATCAAACCAT  
CTTCTCCTTCTCTCCTTTTACTCTGTGCTTGCCTTACCTACCCTCATCTCCATAATTCCTTCTTCAATCATC  
CTCTTCCCCCTTCTCTTCTCTCTCGGATCTCCATCCTCAGGTTAGGTTATTGAACGTACAAATGGATAGTT  
TCCTTGAAGGTTTTACAGAAGACTCTACAACCTTTAATCAAGATATTCAAAGATGTCCATTCTTAACGAATATTA  
ATGAGCCGACAAATTTTTCATTTTCTCGTCCATGGCTTTCCAATACCTGTACGTGGAGCTAAAGGGCCAATT  
TTTGAAGATGGTCCCAATTTTGATATGGCATTAGGCTTTTTCATGGACGAGATGGAGTTGTTCCACTCTCTGG  
AAGATCCATGCATCCAGGGAGTGTAGAACTCAAACCAGCCCCATCACAGTTCAATCCTTTAGCAGCGAAGGCA  
GCCACTATTAACCTCTCATCCTTCGGACCTGGTGGCCCCCTCAGCTTTGGTTCATTTTCAGAGAAGTGGA  
TCAGAAGAAGAAATTCGAATCATCAAAGAAAGAGTCTTCTTCGAGGGTGGAAATTCACAGCATGAAGCAGT  
GGGCAATGAGTGGCTGCAAATGGGTAAGTGTCCAATTGCAAAGTCATACCGTGCGGTT

>trans\_c\_4256 NM\_121609|Arabidopsis thaliana regulator of chromosome condensation (RCC1)  
family protein (AT5G16040) mRNA, complete cds

CCCTTTATGGTGAGGCTTATTGCAGTTGGGGCATTTCATAATTTAGCTCTCCAAGAAGATGGAACCTTTATGGGC  
ATGGGGAAATAATGAATACGGACAGCTTGGAAGTGGTGACACACAACCAAGATCACAGCCAATTCCTGTTCA  
AGAGCTTTCTGGTCTTACTTTGGTTGACATTGCAGCTGGAGGATGGCATTCAACTGCATTGACAGATAGCGGA  
GAGGTCTATGGATGGGGACGAGGAGAACACGGGAGGCTTGGGTTTGGAGACAATGACAAGAGCAGCAAAA  
TGTTTCTCAGAAGGTTCAACTTCTCTCTGGAGAGGAAATTGTTTCAGGTATCATGTGGAGGCACACACTCAGT  
TGCAGTAACCAAGTGACGGCCGCATGTTTTCGTTTGGGCGAGGCGACCATGGGAGGCTTGATATGGAAGGAA  
GGTAACAACTGGGCAACCAGAGGAAGTTCCGATTGACATCCACCTCTCGGGGGAGGACTGAGAATGGCCG

TTGGATTGCCAAGCTTGTTGCCTGCGGTGGCCGCCATACATTAGCTCTGGTACAATGGAAACCTGAGGATTAA  
GCTAAATAACTAATGGTGGTTAGATTCTTCAGATGACCATCCTCTTTCTTTCTATAATAATTATGGGATTAGACT  
ACCTCGATTAGCAGCTCTGGAAGAATGGATTGTGCATTGTTGATTGTTTTATCTATTCTGTGTAGTAAAACT  
TGCACGCATCAATTTTACGTAATAAAAGACCAGTTAAGTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_4257 Novel Gene

CTTCCATTCCGGGGGCAGATTTCACTGCGAGGTGCTGTACTGTGTGCTGAAGTGAGACAGGTTCCCTAGAT  
TCAGTTGTCAGGATAATAACGCTCTGGTTAGGTGTTATGTAGTAGCAAATACCTCCTTAGGTCAAACCTATCTT  
ACCAGTTTTTTAAAGAATATCAGAAATTTCTGAAGTTTTTAGCCCTCCAATGTTCTGATTATCATCTTCAGTTTAT  
AACTCCCTTGTGATGACAAGTTGGATGTTTCATGATATCATTGAACGGCAGTGTTAAGTTTTCATGTGCATTGG  
GTACCAGCTGATTCTGACCGGTTGAAATTTATTAAGTTGTCAAATTGACCTTTAGGATTAGAAGTAAACATATC  
TTGCTTTTCTTTTAGTTAAATATCATTAGGTTTTTCGTTTCTAACTATAATTTAGTTTGGATTTTTATGTTTGTTC  
TTTTGAATGATAGGTTTTTACTTTGCTGACGGTAATAGTGTAAAGACTAATGGCAAACCTCAATATCAGTAAAC  
TTGCATGTATATCTTTTGCCTTTATTATCCAATCACTTTCGTTTAAGGTTTGGTCTCTTTATATGATGCGAGCAC  
GTCTCATCTAATGGCATCACTCATATTACTTATCATGGGAATGACTACTACACTCTTTAGATGCCTAGTTTTACT  
TTAACCTGCAGAATACTTCGATAAGAATGGCCATGTGTTGAATGTTATTTAGAACTGCCGTTCAAAATGTCATC  
ATGAAATAATAATTCCAACCTTGTGTGAGAATAAACTGAAGATAAGTCTTGGAAGGG

>trans\_c\_4258 XM\_002304626|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC052),  
mRNA

ACACTCTTCTTCTTCTTCCCCAAATTCCATCAATGGAGAACCTCAACTCCCTCAAAAATGGCGTTCTCCGATTAC  
CTCCCGGCTTCCGCTTCTACCCACCGATGAGGAGCTTCTTCTCCAATACCTAATAAAAAAAGCCCTCTCCTCCC  
CTCTCCCGGCCCGCGTCATCCCCGACGCGGATGTCTGCAGATTCGACCCATGGGATTTACCAGGGGATTTAGA  
GCGGGAGAGATACTTTTTAGTACAAGAGAAGCGAAATACTCAAATGGAAGAAGGTCAAACAGAGCTACTGG  
TTCTGGGTATTGAAAAGCGACTGGAATTGATCGGAAAATTGTTTCTACAAAAGAGAATCGATTAATAGGGTTT  
AAGAAAACACTCGTTTTCTACACTGGAAAACCCCCAAATGGCTTGAGAACTGATTGGGTTATGCATGAGTATC  
GCCTTGTGGGAAGTTCCGAAGCTCCTCCTTCTTCTTTAATGAAGGATTGGAACCTACCTAATTGAATCCAAAC  
TGGGTTTTATGTGCGATATTTCTAAAGAAAAGAAGCACAAGAGAAAGAGATGAGAAGAAGAACAAACAAT  
TGTAAGCCAGTTTTTCATCAGTTTTTAAGAACGAGGAATGACACTGATTGAATCTTCTCCTTGTCTTCTCCTC  
TCTGGATCAAGTGGAGTTACAGAGATTTAGTAAATAATCATCAAGAACAAGAAGAAACAAGCAGCTGCAGT  
AGTTTTAGAAAGAGATGAAAATATCATAGTTTTTTTTTTTTTTTTTAAGAAAAAAGCATTAGCTTT

>trans\_c\_4259 NM\_121902|Arabidopsis thaliana AWPM-19-like membrane family protein  
(AT5G18970) mRNA, complete cds

GGAGCTCAAGGCAAGGAAGAAACCTCATCTCATTCTTTCCACAGCTTCTCTAAGCTCCAACCATCAATGGCTA  
CCCAGGTACAATCTGCAGTTTCTGTCCTTTTAGTCCTTAACCTTGTACTTTACTTCATCATCACCGTCATCGCTTC  
GTGGGCTGTAAATCACGCATTGGAGAAATCTTTGAATCAGCATCAACATTGACATTGCCAGCTCGGTTGTTTC  
CTATATACTTCCCGTTTGGAAACATGGCGACGGGGTTTTTGTATCTTCTCCTTGATTGCTGGGGTCGTGGGA  
ATGGCATCATCAGCCACAGGAATCACTAATGTCACAAAATGGAATTCCTCAAATATTCACACAGCTTCTGTTTC  
CTCTCTTGCACTTTTGCTGTTACTATACTTGCTATGGGATTTGCATGGAAAGAAATTGAACTTGGTTGGACAG  
ATTCAAACCTTGAGGACTTTGGAGGTTATAACAATCATCACAAGTGCAACTCAGTTGTTATGCACAGGTGCTGTT  
CAAATTGGAGTTGAGGAGATGATTGTGGCTGAAAAGCGAGTTCAAGGAAGGGTTTGAATCAAACCAAAAATA  
TTTCTTTCTAAAGGAAAAAAAAGTCATCTTGTAATTTAAACACTTTGGATTTTTTTTTTTCATTTTTTTTTTCAAAT



TCATGTCTTAATTCGTGTGGATTTGTGTCATCTATCACACTTGTATTTGTTCTCCTTTTCCATTTTAAATTTATG  
ACATGTGAGCTTGAAAATGCAACAAATTAATAATTACATGATTGAAGATTGGGTCT

>trans\_c\_4260 AJ306831|Populus tremula x Populus tremuloides mRNA for aux/IAA protein (IAA8 gene)

ACAAACACAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAACCTTCCACAT  
TATCATTTTTATTTTTTCTCAAATTCTTCGTAGCCTTTCCATAAAATTTTAGATTACAAATCTAATGGCCAACT  
GGCAGCTTCTTCTGATCACCCAAATCTCAACTTCCAAGCCACGGAGCTCCGCCTTGGCCTCCCCGGCTCCGACG  
AGCCCGATCGCCGCACCGAGTCAAAGTCGAACAAGAGACCCTTTTCAGAAATCGATAAGGAAAGTAACAGCA  
GCATTTCCAACAATGGAAATTGCCACGATCAAACCTCCCAACCTCCTCCCTCCAAAGCACAAAGGGGTGGGATG  
GCCACCGGGTTCGATCGTACCGAAAAATGATTTAACTGGAAAGAAAAGAGAGACAAAAAGTTCGAGCGGAA  
GGTATGTGAAAGTGAGCAAGGATGGAGCTCCATACCTCAGGAAGATCGATTTAACCATTACAAAAGTTACAC  
GGAGCTCGAAAAGGCCGTGGAGAACATGTTCAAATCTAATCTAAGTGGTTACTCCGAAAAAAAGGTAGCAA  
AAAGGCATCTGATGATGCTCAACTTAAGAAGACAAAGATGGCGATTGGAAGATGGTCGGCGACGTCCCATG  
GGAAATGTTTCATCTCTTCTTGCAAAAGATTGAGAATTATGAAAGGATCAGAAGCAAGAGGGTTGGGATGTTT  
ATAAAATTTATTTTAAACAGAGAACAGCCATGACAGCAGCTGATATCATNCAGGGGCTACAGGAGAGAAAG  
AAA

>trans\_c\_4261 DQ294622|Arachis hypogaea RING-box protein (RBX1a) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGATCAAGATATTTAGTAAAGATGAAGGCGAAAATTAATGAAGAGA  
ATTAGCATTCCGGTTCGACCCAAAACACAGACAGCGGAAAACAAAAGCAGGGATGTTCAAAGAAGGAAAAAT  
TAACATTTAAATCAACATTTGTAAAGAAACATCTAAGGTTACATAGTAAAATAAAGTAGTCAATCTTAACTA  
CTAGAGATATAAAAATGCATGAGAATAAAACACAACGGGATCGGGGAATGGACAGTAGTTTGTTTTCAACAA  
CTAGACATTTTAGGGTAGTATTTGTTTGACTGACCCATTGGCAATTGCGACGATGTGAAGGTCCTAATGTCCAT  
ACTTCTGGAACCTCCCATTCGCTGTTGTCTAATGGACAACTTGCGCAGTCTTCAACCAACGACTAATGCAGTGG  
AAGTGGAAGCATGGTTGCATACCCCCAGGCAACAGTGCATTCCTCACTGGTAGCACTCGCTTGATTGCGCT  
GACATTCAATACAAAGATCCATTATGTGATTCTACAAATTGCACAGTTATCGACAACAATATCCCAAGCCAG  
AGAGCGACAGCGTTCCACTTCTTGATCTCAAATCGCTTAGGTTTTTTGGAAGACGAAGGGCCAGCACTGCTTG  
AAGCTTCACCGCGGGGAACCATAGGGACATCGGTATCCAAGGTAGCCATGGATGAAACCACGATCGGAAAG  
AGTCAGTTCTCCGGTGAGCGGCGAAGAAGAAATCCGGCGAGTTTGAAGAATTTCAAGAATTTGCGTT

>trans\_c\_4262 D79216|Cucumis sativus noncoding RNA for CR20

CGCGGGTGAATGGAAGATAGAATCTGGAACAAGCTTCAACTGGTTTCTGACTGTCTTTGATTAATGAAAGGTC  
TTATATTATTTCTGTTCTTTACGTGCTTTGAATTCAGCAATTTTCACTAATCCAAGTATCTCTAATGAAATAC  
TAGAAATTTATTAGTATGATTACGTGGTTGGACCAATTCCCTGTTTAAGTAGGGAAGAGGTACACTGGTGCCA  
GTTTTCTTTACTGATTTGCCTACCGAGGAATACTGTGTTTTGCTACTCCATATTCTATAGAAGTCCCTTTTTTTT  
TTTTGAAAGTTTGGTTTTTCATTTATGCTTTTGGTATCGTATGTTTTGTTGTGAAAGTTTCTGATTTTACCATCCG  
TTATGCAACGAAATTTTGGCATTAGAACTGTGCATGATAATTTTACCATCAGCTACATGATCAACTTTTGCCA  
TTAAAAATATTGTAGTTGGGGGTTGTAAAGATATAAACTATTTTAGTTGGGCAGGGCATGATTGACAAGTATA  
GATTGTAAATTAGTAAAGCTGTAGCAAATACCAATTATACAAGTAGGGACTTTGGAATCTCGTAAATTACG  
TAGAGGTTGTATATTGAAGGATTTTGAAATAGTTTTGGTTGTAGACTTTAGAAGTAGGGCTGGTTAGGTATGA  
GCTTTGTTTATTTACCTATCATTGTAATATTTTCTGTATCTTTGAGATATTACATCATTAAATTAGCTTTATTAGA  
CTAAACATTACCATTAAGTCTGCTGGAATGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4263 AF384822|Mesembryanthemum crystallinum CDPK adapter protein 1 (CAP1) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGAAAAGTTTAAATGTTCTCAAGAATTCAAAATATAAATAATCGTTTCCTTAG  
AGAGCTGAAGAGGCCAAAGATTAAAGTATATATCTTCAAATAATGCTCGTTTCTAGCTCTCATTTGCTAATACAT  
TCAATGTATAAGTAACAAAGATAACAAATAGGAGTAAGCTGACAGTTTGGTCAGTAGAGTATAAAATCCATG  
GTGTTGACAATTTGATATGAAGGCCTACCGTGAAAACCTCGTTGCAGAGGGTTAGTTTCCAGTGGACCAAAATT  
TCTCTACTCTACATTCCTTCTGGCAACTCCACAACGGTATAGGCTCAGTGTTTTGCTTTCTGAATCCAGCTATCC  
TCAAAAACCGAGTAAACGTCGATATCATACACTCAGCCTCGTGTGAAGCCATATAATACACAGTAAAACTA  
CAAAAACCTCACATAAGGGCTAAATGAATCAACAAAGTTCAGTGAAATTTTGTGAAACATCGTATTTGTTCAATC  
CCGTTTCTCTATTTCAACATCCAAATCGAAGTCCTCCTTGAGGATATCTTTCGGAGTCATTCCAAATCCATCAGC  
AACCTTTTCCATTCTCTTCAGTCTCTTTACTTCTCGTTTTATTTGGTCCACTCTGTTTGATACGGCATTGTTCCCG  
TTGATGGTGTGTTGATGTCTGAGTTCAGTTTGCTCCTTTTCAAGTTGCTGGAAGAGATTATGTAGATAATTTTAT  
GTAATAGAAGCTTTTCTTCAGCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4264 BT020516|Arabidopsis thaliana At1g48460 gene, complete cds

GTCTAAAACTTAGAACCATTCTCCGCGGGCTCAGGGTTTAAGGACAAATTTCTTCTCTAAAACCTAAAATT  
ATGCCCTCTCAATCCTTCTCTCGTGGCCTTACCTCCCCACTTCTCGGATTACAAGATGCCCGTTCTCGTTTTCATC  
AAATGCAATTGGGAAACCCAGTTTCGCCAAGGAGACCACGAGTGCAGCTTGAATTCTCATCAAGTGTAAATGT  
GTTGAAGAGGAAGAGATGGGCGTTCTGTGTGTGGCTAATTCTAACAAAAGCCCTCAGCTGGAATCATCTGG  
AGAGGAAAATCATGTTCTGTATGTTAGTAGATTGAATGGAGTGGAGCCCTTTCATGGGAAATGTGGTTCTGTC  
TCATTTTCATGGCCTGTCTCACCAGTTGGTAGAAGAGGGTAAATTGATGTCATCTCCTTTTAGAGAAGAAAAGG  
GCTCTATCCTTTGGGTAAGTGGCTCCTGCTGCGTTTATCCCTTCTTTGATTCTGCCTCAAGTTTTCCTTGGCGGTCT  
AATTGAGGCTTTCTTCAAGAATGGAATTCTCGTAGAAATTGTGAGTTCATTGGTGTGTTGAAGTCTGTTTTATG  
TTGGAGTCGCGACATTCCTGCTCGTTACAGATCGTGTTCAAAGACCATACTTACAATTCAGCTCGAAGAGATG  
GAGCCTCATTACAGGCCTTAGAGGATACTTGTCAACAGCTTTCTTCATTGCTGGCTTTAAGGTTGTAGCTCCAC  
TATTTGCTGTCTATGTAACCTGGCCGATGATTGGGCTGCCTGCGCTTGTGTCAGTGTTCCTTT

>trans\_c\_4265 NM\_118282|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT4G21620) mRNA, complete cds

ACCCACTTTTAAATTTCTGCCCAATCCCTCACTTTCTCTCCCAAACATTTTGCAAATCCCACAAAGAAAAAAGAA  
AAAGAAGACAAAAAATCATGAATTTCTTCATCCCCGTTTTCCCATTTCTCATCGCCATTCTCCTTCTCTCGCCATC  
TCTCTCTCTCGCCACCTCCCGGAAGGACGGCGGCTTCGGTGGCATGTTCCGACCCGGAACGGATTGACGAC  
ATACCCGGTTTTCGGAAAGGGTTGGGACAAGGGGATCGTCGGCGGTGGATACGGTGGCGGCTACGGTGGCCCC  
CAAAGGCGGTTACGGCAAGGGTGGTATCATAAGAAAACCTGTGGTTTGTAAGAAAAGGGTCCTTGTTTCAA  
TAAGAAGGTGACTTGTCCGGCTAAGTGCTTCTCCTCTACAGCCGATCGGGCAAGGGTTACGGCGGTGGAGG  
CGGCGGTGGTGGCTGCACCATCGATTGCGCTAAGAAATGTATCGGCTATTGTTAGGGAAGGGCGGTAATGGC  
GGCGGCGGCTTCTGAGTGTTTTTCTTTGACACGGCCGCTCGGTAGCCGGAAGTATCTATAAGTAGTAATTAA  
GCTTCGTCATAATGGAAAAAAGAGGGCTATGTATTGCAGTTTATAGTAGACTAATATATAAAATTAAGAAA  
TATATAATTATAAGTAATGTTATGTTGGAAGTTGGATCGCTATGTATGAGTTTTTAATTTCTTTGTTACTTTCTTT  
TAAATTATGGTTTTCTTGAATGTTTTGGAATTGGATTTCTTAATTCTGATTTAAATATGCAGTGAGT

>trans\_c\_4266 AY380778|Lycopersicon esculentum Bax inhibitor (BI-1) mRNA, complete cds

```
>trans_c_4267 NM_105701|Arabidopsis thaliana ENT1,AT (EQUILIBRATIVE NUCLEOTIDE
TRANSPORTER 1); nucleoside transmembrane transporter/ nucleoside transmembrane transporter,
> (ENT1,AT) mRNA, complete cds
```

>trans\_c\_4268 NM\_001058850|Oryza sativa Japonica Group Os04g0250700 (Os04g0250700)  
mRNA, complete cds

>trans c 4269 AF408765|Zizania palustris alcohol dehydrogenase 1 (Adh1) gene, partial sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTAGAAGTCAAAAACAAATATCAATATATCTCTTACCGAAAATGA  
AATAAACTCTCACAGAATTCAATAACAGCTTCCACCAATCCTTGGCAAATATAAACTTCGTATTTAAATGGCA  
TCTCATAGTTATACCAGACACCTACATGTACGGATGATTCTGACAAAAATGTATGGACTTTCACAAAAGTTCAA  
AAGAAAGCCATCACCCGTCTAATCTCCAACCCTTGCATGATTGTCTTTCCAGAAAATGATACAACACCTACATG  
TAAGGAGGATTTTGACAAAGATGCATAAATTGCACAAAAGTTCAAAGCAAGCCATCACCCATCTTCAAGCCT  
TGCAGGATTGTTTTTCATGAGAATTATTAACATCTCCATCGAACTTCAAACACCTCAGGGTTGCCGGAGTCAGA  
AAAAAAGTGCCCAATTGATATGAGCCTGCTTGATAATTGTAACATCTCCATTGAACCTTCAAAAAACACCTTGGG  
AGATGCCAGAAATTTAAGAACTAGTTCCCGACGATCTTCAAATCCTAGATCATTAGGGTTGGATTGAAAGC  
GTTTTGATGGAACCTTGGAGCACAAAATTATACAAGCTTTTGAAGACCTGGGAGGATCACCTTTCACCAAATA  
ATATGAGCTTCCCAGCTACTTTTGAACATTAAAAAAGTTTTAAAAGAGTGTTATGATGAAAAATATTAAACAA  
ATAGAAGCATTGGTTGACAAATGATAATGAGTTCACACAGGAGGAAATATGACCTCTCAC

>trans\_c\_4270 AY496079|Cinnamomum osmophloeum UDP-glucose dehydrogenase (UDPGDH)  
mRNA, complete cds

CTTCTATGTTCAACACGGTTTCAAACAAGAAAATCGCCGTTCTCGGCTTTGCTTCAAGAAAGATACCGGTGAC  
ACAAGGGAGACCCCTGCTATCGATGTGTGCAAGGGACTGTTGGGAGACAAGGCGCGGTTGAGCATCCATGAT  
CCCCAAGTGTCTGAGGATCAGATCCAGAGGGACCTCACACTGAGCAAGTTGAATGGGACCATCTACCCATC  
TTCAGCCAATGAGCCCGACAACCGTTAAGCAAGTGAGCGTTGTGTGGGACGCGTATGAAGCAACAAAGGAA  
GCTCATGCAGTTTGCATCCTGACCGAGTGGGATGAGTTCAAGACTCTTGACTACCAGAGGATATACGACAACA  
TGCAGAAGCCTGCATTATCTTTGATGGGCGAAATGTGGTCGATGTGGACAAGCTGCGTGACATCGGTTTCAT  
CGTGTTCTCGATTGGAAAGCCTCTTGATCCATGGCTGAAGGACATGCCGGCTGTGGCTTAGATATGCAGGTTA  
CGGTTCTCTTGAATGCCTTGTTGTTGTTGCAAGACAACAAAAGCAGTTGGATTCTTTTACCTTATTTTAAATT  
TAATGTATTTTTGTTGGTTTCTGTTTCACTCTCATATCATATCTTGTGTCAGGACTTTTGAAGGTTTGAGACCAT  
ATGTTTTGCCTTTACAATTGTCCTCAAACCTATCGTTTACCTTCCCATAAAAAGTTTTTGTAGAAATTTTATTACA  
TTTTTCTTTGATTATATAATCCTCATACGTTTACATTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4271 NM\_128450|Arabidopsis thaliana CXIP4 (CAX INTERACTING PROTEIN 4); nucleic acid  
binding / zinc ion binding (CXIP4) mRNA, complete cds

ACAAAACCCCTTTGATTTTCCGATTGGAAGGCTCAAGGCTCTTCTCCTCTATATCCTTCTCCACGGCCTAATCT  
AAGGTCTAACCTTGCGGTCGGTCATTCTGTCGTTGTCGTACGATAAATCCGATCTTGAATTGGAAGTGGGCAT  
AATTGGGGAAATTTATTTGGTCTGCTAACTACAGGCATTTAACCTTTCAGTAGCTTTTCAATTTCTCAAGTGTTTTG  
ATCCTTAAGCTTCAAGATGCCAGCCACTGCTGGAAGGGTTTCGCATGCCTGCCGAACAATAGGGTACACAGTAGT  
GCTGCTCTACAGACTCACGGTATATGGCAAAGTGCAATTGGATATGACCCATATGCACCGAACAAGGATGATA  
ACAAGAATTCTGCCAGCAAAACACAGCTAGCTCTGAGCCAGATGCAGAGAATGCATATGCTAGCTTTCAGG  
GTCTTCTTGCACTTGCTCGCATAACTGGTTCCAATGCCAATGAGGTTCTGTTGCTTGAAGAGATGTGGCCG  
CGTCGGGCACCTTAGTTTTAGTGCCGGAATTTCTTGAGTGTTAAGAATGACAAGGAGAAAAGACCTGAAGCT  
ATTCAAGCTGATGTTATGTCGGAAGTGGATAAATTAAGGGGGTAAAGGAAAAGTTGAAAGTGAGGAGGA  
GAGTGAAGAGGAAGAGAGTGAAGGTTCTGATTCAGATGCTGACTCAGAAATTGAAAGGATTATTGCTGAAA  
GAGAAGGGGAAAAGAAATAGTAAGAAAAGGTCATTGAAAAGAAAGGATGATTCAATCGATGATGGATCAGGT  
TC

>trans\_c\_4272 AY292387|Cucumis melo var. reticulatus cultivar Mashadi profilin (Cuc m2) mRNA,  
complete cds; alternatively polyadenylated 3

AAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAACCTAGAAAGAGATTTGAGCCTGAAGAAGAAACAAGAAGG  
AAGAGGAAGAAGCCGGGAAAGATGTCGTGGCAAGTTTACGTCGATGAACATTTGATGTGCGAGATTGAGGG  
CAATCACCTCACTTCTGCGGCCATTATCGGTCAAGACGGCAGCGTTTGGGCTCAAAGCCAAAATTTCCCTCAGC  
TCAAGCCTGAAGAAGTTGCTGGCATCGTGGGGGACTTCGCGGACCCTGGGACGCTTGCTCCAAGTGGTTGT  
ACATTGGTGGTACAAAATATATGGTAATCCAAGGGGAGCCTGGAGCTGTTATTCGTGGGAAGAAGGGCCCAG  
GTGGGGTTACTGTTAAGAAGACTGGTATGGCTTTAGTCATTGGTATCTATGATGAACCAATGACTCCTGGTCA  
ATGCAATATGATTGTTGAAAGGCTTGGGGATTATCTTATTGATCAGGGCCTCTAAATATCGGTGTGTTTCCTAG  
TGCTACACTCTATCCAAGTTCTTATTTGCATCCAGATTTCTCTCATTGCTTATACGATATCTTTTGGATTGCTGCT  
AATTTCAAGGAAACCATGTATTGTTTGTACAAGTCTATGGACTCTGAATGGAAATGGGTTTGATGCTTGAGG  
AGTGATGATGCTTATGTTTCTGTTATTAGTGTGTCTCTTTCACTTTTTTCTATTTTTCCCTTTGAAATATTGT  
GGTGGTTTTCAAGTGAGGTCCATGTTGTAGCATCAAATATGGATATGGTAAACCAATCACCATAAATT

>trans\_c\_4273 NM\_001050446|Oryza sativa Japonica Group Os01g0687300 (Os01g0687300)  
mRNA, complete cds

GTCCTCTCCGCGGACAAGAACAATTGGCAATCACTCAGGCAACAACCTATAGTCAAGGATAGCAGATCCACTAA  
TCGAGAAATGATACTCTCCGGTCTTGATACGCCGATTATGTCATAATAGACCTGCGCCTTGTCGAAGAAATC  
TTGAAACCGCAGTGGTTCACAAATCGCAGGATTCAAAACCAACACTACATCAAGCATTTCCAGCATAGCTGC  
TATGGCATTGATGGGCATGACGGTGACTGGGCTTCGCCATGTGAGTTCATCAGGAGAGGATCTTCTTTAGTT  
TGGAATAACGAGGGAGTTTGACATCCCCAAGTCTCTCAGGGTTCTGTACCGTTGATATTTTGAATCAGATTA  
TCCTATGAAATTGCCTGACCATTATCAACTCAAGTTTGAAGTCTAGAGAGACCACAAATGCTGTTTTAATGAT  
CTGCTAAATTATCATCGACCTCCAGTCGTCTGCTCTGAACCTAAGGGCTAAATTAAGCTTATGGATAAGTTCGT  
TACACTTCGTACCACTACCTGAATGGAGCCAGAGGAATGTTGTTGGCTCTTTTACATGATTTTGTGCTCAAGG  
ATTGCTCGTCTGGGACTAAAAGGGAACCCAAGCTATCCAATTATTTGCAGTAAAGAAACAAGCAGGCTCGTT  
GTATACAATTCTATAGTTTTAAGTGATTTGTATTCCGCGTGGAACCATTAAAAGTGCCGATACTGCATTCCCCTT  
TCTCAATATATGGTACCACTTTTTGCGTATGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4274 AF268257|Arabidopsis thaliana PTEN-like protein mRNA, complete cds

ACGGCGATTTCCAGTTTCACCGCTCTAGCTCCCTCTCTGTTCCCTCCTCCACCTTCCAAACCCTAAATCCACA  
CCCTTCCTGAAAATTTTCGCACCCTTTTTCGCCTTGATTGTTTCAGCTATCTCTGGATTCTTCTGAAGGGGTAAT  
GCGTATGTGGGGTTCTTGACACTATTTCTATATAATGGATCCAAATTCTACTGATTTCCCAATATCACCTACTGT  
TAATTCCTCGGAAACTAAACCACCAGAAGTACACCCTCAGGCTCCTGTTACACCTGGAATGAATAATGTAGCCC  
GTGATGCACCATCTAAGTTATCTCCTAGTGGCTTAACCTCATGGGCCAAAACCTTGAAAATTTCTCAACCACAG  
TCATCTTCACAAGATGGAGCGACTGAAAATGCTGGGAAGTCAGCTTTTGCACGTTTCACTAGTGGCTTGGGTT  
TGAACCTATCTCCAAAATCTCCTGCACCTAGTGATTCCCAGATGGAAATCTAAACCTGCCAACCCAGTTTTG  
TGGGATCAATTACAAAAGGGTTGGTTGACTCTTCAAAGAGTGCTGTAAAGGCTGTTCAAGTTAAAGCTCGTCA  
TGTTGTCTCCCAAATAAGCGAAGATACCAGGAAGGTGGATTTGATTTGGATATGACTTATATTACTGAAAAT  
ATCATTGCCATGGGTTTTCTGCTGGTGACATGAGCTCAGGGTTTTTTGGATATGTTGAGGGTTTCTACAGGAA  
CCATATGGAAGAAGTCATAAAGTTTTTGAAACGCATCACAAGGGAAAATACAAAGTATA

>trans\_c\_4275 NM\_124152|Arabidopsis thaliana GAUT4 (Galacturonosyltransferase 4);  
polygalacturonate 4-alpha-galacturonosyltransferase/ transferase, transferring glycosyl g> (GAUT4)  
mRNA, complete cds

CTACGAGCGATGCTTCACTCAACTGAAGAGCAGTTACGAGTGACAAGAAACAAACCCTATTTCTAACGCAAT  
TAACAGCAAAAACACTTCCTAAAGGCCTTCATTGCCTTCCCTTGCCTGACAACCTGAATACTATTCTCTGAATT

GGTCCCAACAGCCATTCCCAGGTCAAGAGAACTTGAAGATCCAGACCTGTATCATTATGCATTATTCTCAGAT  
AATGTATTGGCAGCAGCAGTAGTTGTTAACTCAACAATTACTCACGCAGAGGACCCTTCGAAACATGTTTTTCA  
CATTATTACAGATAGACTCAACTATGCAGCAATGAGGATGTGGTTTCAAGCAAATCCACCTGACAAAGCTACA  
ATTGAGATTGAGAAATATTGAAGAATTTACATGGTTAAATGCCAGTTATAGTCCAGTCTTAAGCAGTTGGGTTC  
TTCATCCATGATAGATTATTACTTCCGGGCTCATCGGGCTAGCTCTGATTCAAATATGAAGTTCCGGAATCCAA  
AGTACTTGTCCATCTTGAACCATCTACGATTTTACCTCCCACAGTTATTCCCGAAGCTCAAAAAAGTTTTGTTC  
CTGGATGATGATATAGTTGTGCAGAAAGATCTCACGGGACTCTGGTCCATTGATTTGAAAGGAAATGTTAATG  
GTGCTGTTGAGACTTGTGGAGAAAGCTTTTCATCGGGTTGATAGATATCTCAATTTCTCAACCCTCTGATCTCA  
AAGAATTTTGACCCTCATGCCTGTGGCTGGGCATATGGTATGAATATCTTTGATTTGGATGA

>trans\_c\_4276 NM\_127151|Arabidopsis thaliana CSL zinc finger domain-containing protein  
(AT2G15910) mRNA, complete cds

AATCAATTCGGAGCGCCCAACACAAACCCAAATCCCTCCATCTTCTCCTTTACCTTCCGAACTCGGCGTTTCTC  
ACTCGCCGTCGCCTCGGGATCCACCTCAGCAACCATGTCCTACGACGACGTGGAGATTGAAGACATGGACTG  
GAACGAGGAACTACAGGCCTTCACGTACCCTTGCCCTGCGGCGACTTGTTCCAGATCACCAAGGAGGATCTT  
AAGCTCGGTGAAGAGATTGCTCGGTGCCCTAGCTGCTCTTTACATCACAGTCATCTACAACATGGAAGATT  
TCTGGATGACTCCAATCAGAAGAATAACAAAGGACTCGAGCCCTCTAAACAACACCCTATCGTAGTCGCTTAA  
TAATTCAGAACCGTCGAATTCAAATCATGGTGTGCTGCAGCAGCTGAGATGAAATTTGTGAACCATTGTCA  
ATTCTGAAGATGATCTTCTTTGGCATTAAAGTTTTTCTTTGCTTTTCATTACTCTTTTACAGAATTGGTCTACG  
AAATAGAGGAAGGTAGAGTTGCGTGTGGAAAAATGTATTAAAGTACTATTTTTGTTCTTCACAAAGTAATTT  
ATAGATTCTTGATATTTTACAGCCGAATGTAGTGAGTGGTGAATTCTTTGTCGAAGTAAATCTGATAATCAA  
AAGAACTGTAGACATAGAATGGACGAAAGCTCTAATAATCTAAAATGGTTTGAATCTTATTTTGTGTTGAAC  
TTGTAAGTTTATTAAATTTTGGTGTCTTAGCTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4277 NM\_179044|Arabidopsis thaliana four F5 protein-related / 4F5 protein-related  
(AT4G13615) mRNA, complete cds

ATTACCTTTGGTTGAATCTCTGTTTTAGAGATTGGAATTCTTCGTTTCTTCGGATTAAGTCTCCACCCCAATCCT  
CCAATTCTACATCTTTCTTACCACCCAATTCATTAATCTCCCTCCAATGACTCATATCCTTCTCAATCTTCAATTC  
TTTTTCATCTTTTTATGTCGATTTTCCATGAACCTGTGCTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTAAAGGCGTTTTT  
GATTCATTGATTTTGAAAATTTCTTCTTCTTCAAGTTTGTTCCCTTGACTCAGATCTCTACGTGGAAACCAGAC  
GGAGAAAGACCGAAAAAGGGCTCAGGCTCGCAACGGTGGCAAGGGTAAAACCAAGACGATGGTTTGACTC  
CCGAGCAGCGCCGTGAAAGAGATGCTAAGGCGCTGCAAGAAAAAGCCGCGAAGAAGGCGGCTCAGGCGGC  
ATCAGGAGGTAATTCATCCGGAGGTAAAGCTAGCACTAAGAAGTAAATGGTCCTGGGTTTAGAATCATGGA  
TTATGTTGATTTTCTTAGCTTTGTTCTTGTTGGAACGCCGAGATCTCGTGGTTCTTAGACTGTTTGATATTGGA  
GGAGTAACCTTCATATGTTTCAGTAATGTGAATTGATATATGTATTATGCTGTCAACGTTTATTGTTGATTATTG  
TTTTTCATCATCTTAGTACTCTTGATCTTTACTTCTGTTGAGGTAACATGCTGTCAATTGCGGATTTTGTGAGA  
TTGGATCCTAATGAAAAATTCTTGTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4278 Novel Gene

CAATGAACAATCTCAATTCACCATGTTTCCTCTTATTCTCTCTCTGCCTTCTTCTCCTCCCTTTCTCTACTC  
CCACCGCCGCCGAGATTCTGTCTACACCACATTTCTCCACTGCTTTGAATCCAATTCACCCCTTCGGCTGGAG  
TTTCCGCCATTGTCTTCGCTCGAGAAAATGCTTCTTACACTTCCGTTCTTAGGGCTTATATCCGAAATGCCCGTT  
TCAACACCTCTCTGCCCCAAAACCAGTCATAATCGTCACTCCATTGACTGAATCCCACGTCCAATCGGCGGTG  
ATTTGCTCCAAGAACTCGGTATTCAACTCAAAAGCCGAAGTGGGGTACGATTACGAGGGTGTTCCTATA

TTTCGATGTCGAGTTCATCGTTCTCGACATGTCTAACCTTCGGGCTGTTACTGTCGATGTTGCCGACCAATCG  
GCGTGGGTTGAAGCTGGAGCCATACTCGGAGAAGTGTACTACAGAATTTGGGAGAAGAGTAAGGTTCTTGGT  
TACCCGGCTGGGGTTTGTCCACTGTGGCGTGGCGGTACATTAGTGGTGGCGGCTATGGCAACATGCTCC  
GGAAGTACGGGCTCTCTGTTGACCATGTTCTCGATGCTCGGATTGTCGATGTGAAGGGTAGAATCCTCGACTC  
GAAATCCATGGGGGAGGATCTTTCTGGGCCATTAAGGGCGGCGGCGGAGCCAGTTTTGGCGTTGTCCTCGC  
CTATAAGGTCCGGCTGGGTTCTGGGTGCCGAGACGGTCACTATATTCCGAGTTGAAAGAACTAT

>trans\_c\_4279 Z24678|V.faba guanine nucleotide regulatory protein mRNA, complete CDS

AAATCTCAACCCACTTTAACCTAAATTGTCGATCCTTTGCTCTCTGTTTCGCATTTCATTTTCGATTCAATCCAAT  
GGCTTTGCCCCGACCAAAAGACTGTTGATTATCCGAGTTTCAAGCTTGTGATTGTTGGTGATGGTGGAACCTGGA  
AAAACAACTTTTGTGAAAAGACATCTCACCGGGGAGTTCGAAAAGAAATACGAACCAACCATTGGCGTGGAG  
GTGCACCCATTGGACTTCTTACAAATTGTGGAAAAATTAGATTTTACTGTTGGGACACTGCTGGGCAGGAGA  
AATTTGGTGGTTTACGTGATGGCTACTACATCCACGGGCAATGTGCAATCATCATGTTTGACGTTACTGCCAGA  
TTGACATATAAAAATGTTCCACGTGGCACCCTGATCTTTGCAGGGTGTGTGAGAATATCCAATTGTTCTTTG  
TGGAACAAGGTGGACGTGAAAAACAGGCAGGTTAAGGCCAAGCAAGTTACATTCCACAGGAAGAAGAACC  
TTCAATACTATGAAATATCTGCAAAGAGTAACTACAACCTTGAAAAACCATTCTTTACTTGGCCAGGAAATTA  
GCTGGGGATGCAAACATTCATTTTGTGAGTCTCTGCCCTGCTCCTCCAGAAGTACACATTGACTTGGCTGC  
CCAGCAACAGCATGAAGCTGAATTAGCAGCAGCAGCAAGTCAACCTCTTCAAATGACGACGACGATGCTTTT  
GAGTAGAAATGGTCGACCATATGGTGATGATGCTGTTTGCTTATCTATTTCTACTNGTGCCCTCTG

>trans\_c\_4280 AY935269|Antirrhinum majus plena (PLE) gene, complete sequence

TGGAACCTACTTATGTGATGCTTGGTGCTGCTATAGAATATCGAGAAGCATTTTCCCTTTGCGGGAAAATGA  
CCTTGGCTACACAGCATGCCCACTGAAGAAGAATGGGGTAGGACTTGTACCATTACTGGCTATCTGAAGTTT  
CTTTTGAAGTGACTAATGTTTTAACGAAGGCCAACTTCCAACCTGCAAATATTTCTTCCCTGAGCTCTGTGAT  
CTACACCTGCAGTTGATGGAATGGTCCAAGAATTGAGATGATTATATCAAGGCATTGGCATTCAAGATGCGAA  
CCAAGTTTGAAGAATATTGGGATAAATCTGGATTGGCTCTAGCAGTTTCAGCCATGTTAGATCCTCGGTTCAAA  
ATGAAACTAGTAGAATACTATTATCCACAAATATATGGTGCTGCTGCTCTACAAAGGATTGACGACGTTCTGA  
ACTGTGTGAAGGCGCTTTACAACGAACATTCGATCTGCTCGCCGTTAGCTTCCATTGATCAAGGCCTAGCCTGG  
CAAGTTGGTAGTAGTTCTGGCTCTTTGTCTGTTCTGGGAAGGACGCAAGGGATAGGTTAATGGGTTTTGACA  
AATTTCTTCATGAATCTTCTCAGAGTGAAGGGAGTAAGTCAGATTTGGACAAGTACCTTGAGGAACCTTTGTTT  
CCTCGTAATGTTGATTTCAATGTGCTGAACTGGTGGAAAGTTCGTACTCCTAGATATCCAATTTTGTCCATGAT  
GGCTCGTAATGTGTTGGGAATTCCCATGTNCAAAGTTGCATCAGATTCTGCATTTAAACTGGA

>trans\_c\_4281 Novel Gene

ATTATAGCAGCGCTAGCTCTAACATCATCTCAACAAAAGTACACTCAAATCGAGGGAAAGAAGGACGATAATG  
GAAGCAGCGAAGAATTCATTGAAGGCGAAGGGAGAGAGCCAGAGGATCGTGGTTGCTGTGGACGAGAGTG  
AAGAGAGTATGTTGCGCTTGCAATGGTGTCTTTCAAATCTCACTTCTCCAGACACCAAAAACACTTTGATTCTAC  
TCTACGTTAAGCCTCCTCCAGCCATCTCAATCTCTTCTCGATGCGCCTGGGTATGTGTTTTCAAGCGAGGTG  
ATTCGCGCATGGAAGAAGCAGAGCAAGGATTTGGTTAGCGCGGTGATGAAGAGAGCGGAAGCGGTTTATGC  
GAAGTTTAGTAGCAACGTGAGTAGTGGATGAAGAAGAATCGAATCTCTTGTTGATTTTTCTTTTGGGTAAT  
TATGTGTGGGGCATTTTGTGCAACACTTAATTGGTGCTGTTGCAGGTAAATTTGGAGAGAGTAGTTGGGAAG  
GGAGATGCGAAGAACGTGATATGTCGCACGGTGGAGAAGCTTGGAGCCGATACCTTGGTAATGGGATGCCA  
TGTTTATGGCTTCTTCCAGAGGGCATTTGCTCGGGAGTGTGAGCGATTATTGTGCGAAATATGCAAAATGTCCC  
GTGGTTATTGTGAAACATCCTTAAGATTCTAGAGAAAAAAAAGAATAATTAAGCCACCCAAGAGAATTAA

CGGAATTTTAATTGGCATGATCTTTCTTATGAGAGGATGGAGACTTGATTTCTCATCTCGGAGCATTGTATTAA  
AA

>trans\_c\_4282 XM\_002887562|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AAACCTGAAACTTTGGAGCTTCACCAGACTGTTAGACATGCCGTATCTGAGCTTGGTCCTGAAGACACGAGCA  
AGAACATAGTGGAATCATATTCCAGTCGAGTTGGCTGAAAAAGCAAACCCCAATTTGCAAAATTGAAAGGAT  
TCTCAAAGTCCAGAACTCCAAAAACCATCTCGAAATTCGAGGAATACAGGGACTCCATAAAAGCCAAAGCT  
ACCAAATTCCAAAGAAGTACCCACGTTGTATAGCAGACGGTAACGAACTCCTAAGGTTCCACTGCACCACCT  
TGAAGTGTTCATTGGGTTTCAATGGCTCTTCCAACCTCTGCAGTTCAATCCCACAATGCAATGTCTGTAGCATAA  
TCAAGAATGGGTTCAAGGTGGCGGCAGAGGCAACCGGGGGGGACTCTGGAAAGGGAATTCTAACTACTGCT  
ACAAGTGGAAAGGCTCACGATAGTGTGCGAGTATCATCAGACGGCGGCGACGACAAAAGAGCTATGCTGGT  
TTGCCGGGTAAATAGCTGGGAGAGTGAAGAAGAGTCCAGAAGGCAGCATGGAAGATTACGACTCATTGGCCG  
GAGCAGCAGGCATGTATTCCAATTTGGATGAGTTGTATGTGTTCAAGTCCCAAGGCAATATTGCCTTGTTTTGTT  
GTTATTTATGGAGGTTTTTAAGTCTTTAGCTGCAATTAACGGCTTTTTGTTGGGCAAGAGTTTGTGTTGATTGCCTC  
TGGAAGATGTGCAATTTTAATGGAATTGTATTGTGTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4283 NM\_001067225|Oryza sativa Japonica Group Os07g0687100 (Os07g0687100)  
mRNA, complete cds

TGTGTGGGGAAGTGAAATGAAATGGAGAGTGGCAAAGAGATGAAGAAAGGTTGAAGATATTATGCCTTCA  
TGGATTTAGAACAAACGGAAGTTTTCTTAGAAAGCAACTCAGCAAATGGGATCCTTCCATTTTTGCTCTTTTC  
ATATGGAATTTCCAGATGGTATATTTCCAGCAGGAGGAAAAATCAGAGATAGAAGGATATTTCCACCTCCTTA  
TTTTGAATGGTTTCAATTTAATGAGGATTTACAGAATACAAAACTTGAAGAATGCATAGATTATGTATGCA  
ACTACATCACTACAAATGGCCCATTTTATGGCTTATTGGGTTTTCTCAAGGAGCAGTATTGTCAGCACTCTTAT  
TGGGTTACCAAGCACAGGGAAAGGTGTTGAGAGAGCATCCACCAATCAAATGTTTGTGTCAATATCACGAA  
CAAAATTCAAAGACGAAAGCATATGTGAAGTTGCTACAAACACAAAATAAAGGTCAAATCTGTTCACTTCAT  
AGGTGAAAAGGATTGGTTGAAACTTCCTTCTCAACAGCTTGCTTCTGTCTTCCATCAACCTCTCATCATAAGGC  
ATCCTCAAGGACATACAGTTCCTAGATTAGATGAATCGACTACTAAAGAGCTCCAATGTTGGGTCGATACAAT  
ACTTTCAAGTCGTGGTCATGATGGAACAGCCGAACTGAAGGAAAGTGCATCGACAAAGTAAATGAGAGAA  
TTGAAAAATCAGATCATGAAAGAGGAAAAAAATGTATCGATGCTGTTTTGATTTTTATAACCAAAGTT

>trans\_c\_4284 BT004729|Arabidopsis thaliana At4g08240 gene, complete cds

AGGGTTTAGTCGAACGATTCCGATCTCTAGAAACAGAGAGGAAGAGAGGGATGCGAGGAACTGGAGGACCT  
CTTCTTTGCATTGGCGATCTTCTCTGCGATGTCGGAGAAGAAGAAGCCGTAGAAGGAAAGGGTTTGAATGAA  
ACCCCCAAATCAATTCCATCTCCATCTTCTCCTCTTCTGTTTCCACCACACTTTTCGACCTATCTCAACCTCC  
TGATCTCCCCAACTCTTCCAGGAAAATTACGACCAATTGAACAAAGTATTTGATGATAATGATCACTCATGGA  
CTGCTTTGACATTGAAGATGTGTAGTGCTCTTGATACTGCTACTAAGTTGGTTGAATCAACCAACTCGAATTCA  
AGATTTTTGTTGGAGAAGATTGTTGAGCTTGAACATGTTTTGGAAAAGGGAGACGCTACAAGAGAGGCAGCC  
ATGGCCATCCAACTAGTTATAGCTCTCAAATTGCTCAAGACTCCATTTCTTCTCTGAATGAAGGTTAGCATAG  
GCTTATACTAAAAAGGTTTTCTCATTATTGAAGCATGATGGAATTTAATCTTCGTAGATACTGTTTAGGGTA  
ATTTCCATGTTACGGCTTTGATTCATGCTCTTGTGTTTTCTTATGCGGTAGGGTGTGTTGAGAAAATTTTTATTTT  
TAATTATTTGTAATCATATTTTGATTGGATTAGAATTAGTAATCAAGTAAATAGATTAAGTTTTATATTGATT  
TTGGTCCCTAAAGTTCATTCAACTGTGCTTCCCGAATTTTCAAATATACATTTTAGTTCTT



>trans\_c\_4285 NM\_001035851|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing protein (AT1G01490) mRNA, complete cds

ACTCTTTTCCTTTCTTTCTCTTAGTATTCAAACATTTTGTTCCTATTTAATCCTCGAAACCTCCAACCTTTCT  
TCAAATTAACCATTCTTCTTCTTCTTCTTCAACCTTCGATTCAATATGATGAAAGTTGTGATGAAATTGG  
ACTTACATGATGATAAAGGGAAACAAAAGGCTTTAAATCTGTCTCTGTTGTTCAAGGAATTGAATCGATCGC  
CATGGACATGAAGGACAAGAAGCTAACAGTAATTGGGGATGTGGATCCAGTTGATGTAGTTGAAAAGGTTCCG  
AAAGCATTGGCGGAACGCCGATATCGTCAGCGTCGGCCCGGCGAAAGAAGAGAAGAAGGCACCACCAAAAAG  
AGACAAAGCCAAAGGAAAAGAGTGAAAGTGAAAACTGAAGATCTTCTTATATGGTACAAAAGCCATGGTT  
ATATTCCTTATGGATCAGCTCCTAATTACCGTGTGTATAGTGTAAGGAGAATCCTAATTCTTGTGTCATTTCTT  
AGATCAATTAATATGTTTGATTCAACTCGTATATAATATATGTATTAAGCATCCTAATCACAAACATTTTCAAG  
ATCAACTCCATGATATATGTATGTTCATACACATATATGAGGTCTTGAAACCTTAGATCATATTATTGTATAAA  
GTTGGATTAAATTTGTGATAAGGCTATTTGAGCAGTACAAAAGAGTTAGAAGAAGACAAATCTTGAAAGGG  
TGAGTTGTCCTCAACAAAAAAGGAAAAATGCAAAAACATATTTTATAAAATTATGTGTTTG

>trans\_c\_4286 AB206871|Prunus persica mRNA, microsatellite marker M19a

GAAGAGCGAGATTGGAGAGCTAGAAGAGAGAACAGTTTTTCAGGATTCTGATTTCAATCGGATTTAGCTTCTA  
AAATCTCAATCTTAATCTGTTTTTTGAGGGAGCAATCATGGAAGATTCGTCCTCTCAATCCTTCTTCAGGAAGC  
ACTGGGAAGGCTACAAGGAGTTTTGGTCCGAGAGATTCTCAATTCTCGACAACTATAGCCCCTACGTCCAGCG  
CCCGACCCCTCTTCCTTCATGGTCTTCCTCCGATGTCGAGGAATTTATTGCTTCTGACCCCGTTTCATGGCCCCGT  
TTTAAAGACTGCCAGAGAGGCTGTAACTTTGGTCTCACAGGAAGTGTTATTGGAGCTGTATCGACTGCAGGT  
GTTGCATGGAAATACTCAAAAAGTTTACATGGTGTCTGGGTTGTCGTTCTTGCGGGAGGTGCATTTCGGTTGGA  
CTTTTGGCCAAGAGATAGCAAATCATGGTATCAACTCTACAGGCTGGACACAATGGCTGCACAAGTTAAGTT  
TATGGAGTGGTGGAGAAACAAGAGTGAGGGAAGTTCTTAAGACTCTGATTTGCAGTTGAAGCAGCGGAGCG  
CACACACTGCAGCTGCATCTAAAATAAAAATGTAAGTGCAACCTTGTTGAAATACAATGGTCGATTGGTTTGT  
GTTGTGATGAACTCTTCTTCAACCTTTCAAGTTTAGAAAAGTACTGTCTCTTTTTTATCTTCTGGAAATGACTC  
ATTCATTTGCAAGCTCGTTAGAGAATGTACCCCATCTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4287 Novel Gene

ACATAAATCTAAGCATGACGCTGCAAAATCCAAGGCCACCGGAAGGCAAAAAACGAGTTAAAAATGCAAGT  
CTCCCCAATCAATCCAAAAAGGAAGAACAAAAACGTTAAGGGTATGAATCAAATAGGAAAGTTATCAAAAGC  
AGAATCATCTCCAATCTTTGATTACTTCCCGTAATGTATTTACAGACAAAATTCAAGCAAAAGTAGTTCAAATTT  
CAAAGTATGGCGTACCTTCCGGAGCCTGAGGACTAAAACCACCCGCAGAGAGCCTCATTCTTACCGAAACATG  
ACAATATCCTTCAACCGAAGTGATAAATAAATAGCTAATGTAAACACATCCGCGACCCAGAAGACTCTGGCTC  
TTGTTCACTCCACAAGTACAATATTCCTCTCCCCAACTAAAGCGCCATTGTAATTCCAAGCTACACGTGCTTCA  
ATCTGTACAGTATCAAAAACTTGGTGCCCACTCTAGAATCCTCAACCGAAGCCGGTTTCGCAACAGAACTCAGT  
GATTTTGCGCCTCATCCGAAGCTTCAAAATCAGCACTAACCTCCCTCCAAGATTATACCAATCTCTTAATTTACA  
ATTACAAAACAAAACCCAGATTAAGCTTCAAAAACCCAACTCCTCTTCTCCTCCTCCTCCTCCAGACCCACAAA  
TTACTGATTCTTAAAGAGTTCTGGCGCTGAACTACTACAGAGTTAAAGATCCACAAACGCCAGGGAGCCACC  
AGATCTTGAAGTAAGAACATGAAAGGTTTGAGATATTTAGTAGAAGGAAAAAACCCAGATCTC

>trans\_c\_4288 NM\_129771|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein (AT2G42080) mRNA, complete cds

>trans\_c\_4289 NM\_001057652|Oryza sativa Japonica Group Os03g0723600 (Os03g0723600)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_4290 Novel Gene

>trans\_c\_4291 EF144174|Capsicum annuum methionine-R-sulfoxide reductase B4 protein (MsrB4)  
mRNA, complete cds

AATGTCGACAATGGCTGCCAGAAAGTTGAATTTATCGATTCTTCCAAGTGGGTTTATTAGTACTTCAAAAACCC  
AACAAAGCTTCACTTTCTTTCTTTTCTTCTCCTCCAGGTTTCAGAGCAATCAAAAACAAAAGCTTTCATCATT  
TTCTACCAGAGTAATGGGCTCTTCTCCTCTTCCCAGAAACCAGATGGCATCAAAGAGGCTGGCACCGTCGATT

ACAAATCTTTAAGCGATGATGAATGGAAGAAGCGGCTCACGGGAGAGCAGTTTTATATTACCCGTCAGAAGG  
GCACTGAGAGAGCTTTTACTGGTGAGTATTGGAACACCAAAACGGCAGGGCTATACCACTGTATATGTTGTGA  
CACACCTCTGTTTGAATCATCTACTAAATTTGACAGTGGAACGGTTGGCCATCATATTACCAACCTATTGGTG  
ATAATGTCAAATCCAAGCTAGACCTTCCATCATTTTTCATGCCTAGAGAGGAAGTTCTTTGTGCTGTCTGTGAT  
GCTCATCTGGGCCATGTATTTGACGATGGACCGCCGCAACTGGAAAACGTTACTGCATCAATAGTGCGGCAC  
TGAAATTGAAGCCAGATAAGTGATGATGAAGATATTACCATACCTGCCTGCAAATTATGTAAGTGAACCCGT  
ACTCATTACATGTTTGTGCTTATAAACTGAGGATTCTCGAGAGATGTACACGTTTATTGGGCTGAATGAAAATA  
ATTGTATTGGGCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4292 NM\_001112094|Zea mays protoporphyrinogen IX oxidase (plastidic)1 (prpo1),  
mRNA gb|AF218052.1|AF218052 Zea mays protoporphyrinogen IX oxidase mRNA, complete cds

CTTCAAATTTTATTATCCACCAGTTGCATCGGTGACCATATCATATCCAAAAGGAGCAATTAGGAAAGAATG  
CTTGATTGATGGTGAACCTTAAGGGGTTTGGTCAATTGCACCCTCGTAGCCAGGGGGTGACAACTTTGGGAACT  
ATATACAGCTCATCACTTTTTCTAATCGAGCACCAGATGGAAGGGTATTGCTCTTGAACCTACATTGGAGGGG  
CTACTAATACTGGAATCTTTCCAGAAAGAGAGCGAGCTCATAGAAGTAGTTGATCGGGATTTGAGAAAAAT  
CCTCATAAACCCAAACGCAGAGGATCCTCTACCATTGAGCGTGAGGGTGTGGCCACAAGCCATTCCACAGTTC  
TTGATTGGCCATCTTGATCTTCTGGACACCGCCAAGACCGGACTGAGAGAGGCTGGAATGGAAGGGCTATTTT  
TAGGTGGAACTATGTATGTGGTGTGGCCTTGGGGAGATGTGTGGAGGGTGCCTATGAAGCTGCAGCTGAG  
GTAGCTGGTTTTCTTTCTAAAAGGTGTATAAATAAATAGCTACTTCTTTTGCTTTCTACCATTAGGCACATAT  
CCAACTGATGGCTCTTCACGCCATTGAGTTGTAACCTGCAAGGGATGGTGATCGTGTTTTGCAGGTATGGTT  
TTTTAGCTTTATTTTTACTTGTTTTATTGTAGCAATAGTTGTAATCCTATTTTAGGATGAATCCTAACATGTTG  
ACCTCTCTAAACTTCTTATGGCTTGACTTTTGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4293 Novel Gene

TAACATTTATTTTTCTTCCAAGTTGAATCACTCAATGAACCCCTTATTCTAATCGCATGAACAACTTACGAGT  
CTTTGGTTCAATGCCCAATTCTTTAACCTTTTTCACAACTTGAATCGTTCTATCAACCTTTTGATAACAGTTCTA  
GGGTTCATTTGATCATTTTCGCTATGTTTCTAGAAGGTAAGTCTTCACTGGCCAAAATATCAATGTTAGATTC  
AAATTACCCTTCAAATCACAACTAGAAGGCTTGGATAACGACAAATAGCAGCAGTTACTTGTTTCATCCGATTC  
CAGAATTCCTTTATGTAAAAAATGATGGTTCCAACCGAGAATCTAAGCTGCTGCCAAGAACCCATGGGGTTG  
ATAGAATAAACTTAGGAAGTAAAGGTCCGACGAGCCGATTTCTGGAGGAACTCAAATCTAGGCTTCAGATT  
GGTGGACACTTTGGATTGAAGGATCGAAGGTGCCTCGAGACCAAATTGGCGATCTGTGTGTTCTCGAATCCA  
TGTGATTTCAAGAAATCGATAACGGCTCCGACTGCTGGATGTGTTTTTCATCGAACTGGAGCTTTTCGACCGGC  
GGAAGTAGGAGATCCCGAAGAAAGGCCGATGAATTTGTGAGGAATTGGATGGTAGAGACAGAGGGCAAA  
GGCAATGTAGAAGTAGAAACGGTGTTGAGAAAACGATTATGGAAGAAATGTAGAAGAAAAGAGGAGGAAA  
TTTTGGACATTATGGGGTTAGAATGAAGAAATTGAAGAAAGGGTTGTGGTTAGGGTTTTGAGCTCCA

>trans\_c\_4294 XM\_002893031|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein IQ-DOMAIN 32, mRNA

AATAAGAAGGAAAATCCTGATTCAAAGACAGTGGTAAAGGGAGAGCCGAAAAATTCAAAATCCAATTTGCGA  
TATATTTCAATTGAAAAGCTACTTAGCAATAGTTTTGCCCGCAGTTGTTGGAATCAACACCAAGGAACAAACC  
AATCAAAATCAAGTGCGTTCCTTCAAAAATGATTCTGCTTGGAATGGTTGGAGCGCTGGATGGCTGTTTCA  
TCATTGGATGTCTTGGAGGCAAAGAATGAAGAATTAGTCCCTGATCAAATGGAAGAAAGAAACCGAGGAGCCA  
AAGAAAGAAGAATTAGAAGAATCAGACGCTGAGCAATTGAAAAGAGAAATTGAGGAATCTCATTTTGAAGAT  
CGAATTGACTATAACCCGTTGTCTGAAACAGAAGATTTGAACTCCGGCACGATCAAATCAGTTTCACCATGTG  
AAAGTGAAGATTTAAATACTTATAATGCCAATAACTTACAATCTCAAACCAGCTGCTCTCCATCTTCATTACAAA

ATGATAATCTGGAGCAGCCTCGGCCTGAGACTGCTAAAATATCTGAACTGAAGAGACATCAACTAAGGTTA  
GTTCTGTACAACATGAGAACATACAGACGGATGATGTAGGTGTGCAAACAGAGTCAAACCTCCTCCGAAAA  
ACCTCAGATTGAAATTGAGCAAGTCAATCCTCTGAAAAGATTAGCACCTGAACAACTGGAGAATGAGGGCAA  
GAAATTTGGATCAAGAAAGGCGAACAATCCCTCATTTATCAATGCCCAGGCAAAATTTGAACAGTTGAGTTC

>trans\_c\_4295 NM\_125689|Arabidopsis thaliana catalytic/ nucleotide binding (AT5G62950) mRNA,  
complete cds

ACGAGGGTTTTCTCGCCGCCGTCGTGGAGTTCTTGATTCCGGCCAAATCTTAAAGCTTCTTCTCCATGAAAATA  
TTAGAGGCCAACGCAGGCCCTCTTACGAATTTTGAGGTGCTCGACTTTTTAAGATCAAAAGGGGCAGCTAAGG  
ATCCCACTAGGGTTCTTGCGAAAGTGTTACCATCTGAATACAAGGTTTTTGATTATTTGAATCGAACTCCTGCTT  
GTAATCAAACGAGAGAAGCCGTCATTGCTTTTGTTGAGAAGTCCAAAGAGTATGATCTCGCGAAAGCTGAAAT  
TCTCAATATCATCAATTTGCGGCCTATTACCCCGTTGAGTTATTTCCGATTATAGAGAATTGTGATGTTTCGTAT  
GGGAGAAGAAGCAACTGAAAGAATGGAAGAGATGGGGTCGATGGTGGAACACGTATTCCCTACACCTCAAA  
TTCAGCCAACGCTTGAAGCAACTCCAAATGAAGGTAACGAGGCCGAAACCATGGAAGAGCAAGAAGGAGCA  
GGGGATGCTGTTGAAGAACCCATCCAAACCACTTGAACCCAGTTAGAGAATTAAGTGAATGTTGGTAGATATA  
AGATTAAATGAGCTGCCTGTGCTTGATTTCCCTCTCAAGCCTTAACTCAACTATTTCATAATGTGCGTGTAGACAT  
GGGTTTCAGGTGAAAGATGAAACTGAGAAGGACAGTTCCCATATATAGAATGTGAAATTAAGCCAAAGAAA  
GCTTTTGAGTGCTAAACAATGAAAATGGTTTGGCTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4296 BT010193|Arabidopsis thaliana At1g66080 gene, complete cds

AGAGAAGTTCCATTTCTTTCCATTCCATGAAGGATATTTGATTGAACTCTTAATCCTTCTAGATTCAACTAGAA  
TTCTCCACACTCACTGATCCTATGCTTTTCCACTCCATCCGTCCACCTTCATCGGAGCATCTCTCGTCCTCAACT  
ATCAATACCTTTCTCTATCGCAGGTTTCATGTTTCATCTATCTAAACACACAAATCAGCGAATTCGAACATGTT  
CGGCGTCGTCTTTCCCAATCGAAGCTTTCCGATGGACATTTAGCTTTCTCTCAAACCGACACCTTCCATTGGGT  
TCTCGACATGAACACATTCGTGCGTGAAGCTTACGATCAGATTCGTGAAATGTGCATTTTCTTATTGAATAATT  
TCACTCTTCCGCCCATAAAGCTCTGGCTGTCTATATTCAATCCCCTGGATCTCCGTTTCTTCTGTGGTGCTG  
TAACCCTAGCCAGACCCTCGGCAGTGCTATCTCTCCATGGCCGGAGCCGGGTGGTCAGATGCAGCTTATGCC  
ACCCGATTCGGCTCCTCTCTCTACTAAAATTGGAGTCTCCGTCCAGGATTTGGCTTCCTTGCAGTCGCTTGATGT  
GACGGCGGAAAAGCGGATTGAGCGTCTGGCTCTAAAAGTTGGTGAGAATCTGTTCAATTCATGCAATCTTTC  
TGCGGTGTTGATGGTTCAAAGTTGATTGTCCAATGGGTATCTTGGATAGATGGTTCAAAAGTTTCAGGAGA  
AAGCCAAGCGTGATCCTGAATACTTGAAAGGCTTCGTTTTGTAAGGATCCATTCTG

>trans\_c\_4297 NM\_116146|Arabidopsis thaliana complex 1 family protein / LVR family protein  
(AT3G62810) mRNA, complete cds

TACTTGAACGAAACGACGTCGTGACCTTTTGGGAGCTTCATTGTTCTGTGAGGAAGCGCAGAAACCCATTTCAA  
GAGGGATCTCATCATGAAAGGGGAAGTTCTAAGCGCCTACAGATCGTTGCTCAGGGCAACCAAAAAGTCCTT  
CGCCGGCGACACCTTGATGCTGACCGAGTCGGCCTCCGAGATACGCCGGAAGTTTCAAGAGAGCCGCCACGT  
GACCTCCGAGGCTGAGATTCGGAACCTGCTCGATGAAGCTCGGGAGGCCTCCCATTTTCATCTCCAATATGATC  
GTTCAGGCCAAGCGTACTTCTCGCGCGGCTATGAAATGAAACCGCGTAAAGATCATGCTGGTGCAACACTA  
GAAGTTCCTTCTGAAGAGCTTCTACGCAAATCTAAATGAGGAGGTGAGATGATGGATGCTGACTTCCAATTTG  
ACAATTGTTTTAACTTTAGCTATTTGCTCTTGCCCTAGGAGGATCTTGGAAAAGTTTTCTGTTTCTTTTGTTG  
GTCCATTTTCATATCCATATTTATTTGTGCTCAGTTAAATGTACTTGTTGGTAAAAGGTTCTTGCATTGGGCTAA  
TGAAAGTCCCAATCTTATACCTTTTATTCCAATTTGATGGATCGAGAAAGTTGGACTCAAAAGTCAAAATTTGG

CTTACAAATTTTTTTAGTGAATGAAATTTTCTAGAATGATCTTTTCAAGAAGCCTGGCGTTATTAGTAAGAGAA  
ACAATCATCTTTACTGGGATGGATGATTGAACCTTCAACCTTTAAAAAGGAAGTTATTTTAAATTA

>trans\_c\_4298 AB086425|Pyrus communis PcGAL3 mRNA for pear beta-galactosidase3, complete  
cds

ATATTCCACGCTCATGGTTAAAGGAATCAAGCAATTTACTAGTTCTCTTCGAGGAAACGGGAGGAAATCCGCT  
TGAGATTGTAGTCAAGTTGTATTCAACTGGAGTCATCTGTGGTCAAGTCTCAGAGTCTCACTATCCACCTCTTA  
GGAAATTGTCTAATGATTATATATCTGATGGAGAACTCTCTCAAACCGTGCAAACCCAGAGATGTTCTTGCAT  
TGTGACGATGGACATGTAATCTCCTCGCTCGAATTTGCTAGCTATGGAACCTCTCAAGGAAGTTGCAACAAGT  
TCTCTAGAGGTCGCTGTCATGCAACCAATTCTCTGTCTGTTGTTTACAGGCTTGTTTAGGGAAAAATAGTTGC  
ACAGTTGAGTTTCAAATTCTGCATTTGGAGGTGATCCATGTCATAGCATTGTGAAGACCCTCGCTGTCGAGG  
CTCGGTGTAGCTCGACGTCAAGTATCCATTTCTCTGTTGACATGAAAACAATAATCCTCCATTTTCTATCTGT  
AAGTATGCTGTGTATTTACTATTATCTTAAATCATCGTCGTCGATTCCATTGTAAATCTGTGTTTTATTCTAGT  
TTTGGTCTTGACTGTACTTTTACGAATGAAATGACATTCTAATGTACTTGAGAAAAAAATTAGTAAATAGAG  
GAGTTCCAAAATTATTTAGAAGAATAGGGTTGATTTGAAAGGCGATCTGAAGTTTTTGTATAGGACGAGAGCC  
GTCCTATTAAATTTTTTAAAGAATATATTAGGTCTAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4299 NM\_105497|Arabidopsis thaliana thioesterase family protein (AT1G68260) mRNA,  
complete cds

ACTCCGATTGCCATTTCTCAACAAATCCGCCGACGACAGCACAAGAATCCGCGCGATGTTGCAGGCTTCCATTA  
CTCCGATTCAATCGCCGCCTCCGATTTTCCATGAAAAAACTAATGGATTCCCAACCCCTCCATCAGTTGTCTTCC  
CCAGCGCCCGGCGGTGACATCTTTACGCCTACAATCACTCCCAGTAACCAGAAGCTCTATCTTCTTCTTCTT  
TTGATCTCAAAGCCGGCAAAGGGATGGATACTTTCCTAGATATTGAACTCAAAGTTCGTGATTATGAGCTGGA  
TCAATTTGGAGTTGTGAACAATGCTGTTTATGCAAGTTATTGCCAACATGGTCGTCATGAACTGCTGGAAAGT  
ATAGGCCTCAGTCTCTGATGCAGTTGCTCGTGATGGAGATGCATTAGCTTTATCAGAATTGTCTTTGAAGTTCCT  
CGCACCACTTAGAAGTGGTGACAAATTTGTTGTTAAAGTGAGGATCTCAGGCATATCAGTTGCTCGTTCTACA  
TTGATCATTTTCAATTTCAAGCTTCCAAATATGGAGCCAATCTTGAGGCGAAGGGTACAGCAGTTTGGCTTAAC  
AAAAATTATCGCCCAGTGCGTATTCCACAAGAGTTTCTATCCAAATTTGGTCAATTTGTTTCAGGATCACGAGTG  
CAAGTGAGGTACTCAGCAAAAATCTGATTCATATACTGAAGTCCATAGTAATGAATCTTGCTTTTCTCATAT  
ACTCATACCACTAATACTCAATCTGTGGTTCATATACACACAACATCACTTTGATTTTC

>trans\_c\_4300 BT008470|Arabidopsis thaliana At5g12470 gene, complete cds

GCGACTCTGCCATTTGAGTTCTAAAGTTCTAAGTTCCGCCGCCACCTACTCCGCTTTACCGTTTGGAATAAAA  
CCTCCGCTGCCGCCGATCGCCGTGAAGATTGAGATTGAGAGAGAGAGAGATTGATCGCGATGGCTTTTGCTG  
CTTTCACTAACCTGTCTTCTTCTCTCTCTAATCAATCAGAATCGTTCATTTCAAGTCATCGCCATCACATTTG  
CTTCAATTGCGAATCTCCGCTTCTCCAGTTTCAACTCATCTCCACCAGTATCAAGGCCAATGGTCTTCTCTCA  
CTTGTCGAAATGACCGTCGCGATCTCAGTAACCGTCGAGAGCTGTTTTAGTGTCTTCATTTGGTGGTGGTNG  
GTGGTGGTGGAGCTGATGGCGGTGACTCTTCTCGCGTGGTGGAGGAGGTGGCGGCGGAGATGATCATGGT  
GATCAAGGGGATTCTGGTAATGCTGGTGATAAGAATAAGGCGGAGGCGCTTTTGGTGTGGCTGAGGCTGG  
CTGGTCACTGGAATGTCTACCGAAGGATTTGGCAGTGGCGATCGAGGCCGGTCAATCCCTGGATCGGTGGT  
TACGAAGTTCTTGAGCTTCAGAAGTCTGCTCTTATGCGATGGCTGATGCAGTTTGGTGGATTCAAGGAGCGC  
TTGTTGGCGGATGATTTGTTTCTGGCGAAGGTGGCGATGGAATGCGGCGTTGGAGTCTTCACTAAGACTGCT  
GCAGAGTATGAACGCCGAAGAAAAAAGTTCTTTGACGAGCTCGAGATTGTTTTGCTGATGTGGTATG

>trans\_c\_4301 NM\_001070033|Oryza sativa Japonica Group Os09g0481800 (Os09g0481800)  
mRNA, complete cds

ATTTTCATTTCACTTCCTATGAAAATTACAGCGGCAAAAAATCTCTTGCTCTCTCTCTTTTAGTACTTTTCT  
AATCAAAGAAAAGAGCAGCGAAGGAAAAAAGGGCGGCTTTTCTAATCTTAACCACAAAAGTTTGCCAAAAAA  
GCCGAATCCTCATCCTCAAAATCACGATGCGGCTACAGGCGCCATTTCTCGCCACAACATCGTCTCACCTCCA  
TCTTTATCATTAACAGCCGCCACCTTCTTCACTGCACCTCCTCCAATATCGAAGTTCGACCGCCGGAGACGCCA  
TCCAGTTTGCGATTGATAATGAGGACACCGAGGCGGAAACTCAATGTTTCGGCAACGCTGGTTCCAGATCAAC  
GGCCGCTGGATCTGACGGAGGAGAACGTGAAACAGGCACTTGGGGAAGCTCGTGTGGAGCTAGCGCAGATA  
TTCGACGACTCCGTCGGCATTACAGGAGTGGTGGAATTGGCTGAATTGGACGGACCATTTGTCAAAATTAGTC  
TGAAAGGTCGATTTTGGCATAAGCGTTCAACAGTCGTAGCTCGGGTCGGCAATTATTTGAAGAACAGAATCCC  
CGAGATTTTGAAGTTGAAATCGAAGATGAGAGTCAATTGGATGATAGTCCTGCAAGCTTTTAATTAATAACCC  
CATTTCTCTACTGTAGCTATGTACTTTTTGACAAGAATTATGTAGATGCACACAACCTGATTGTCTTCTTAATT  
ATTTGATTGAAACCTACCTATAGAAATCATCTATTATTTCTATTTAAATCCTGTTTTGTCTT

>trans\_c\_4302 AY149966|Arabidopsis thaliana At2g17220/T23A1.8 mRNA, complete cds

ATGGTTTTGGAGTCGTATTGATTGAGATGTTGACTGGTTTACGTGCTCTCGACGAAAATCGTCCAACTGGGCA  
AGAAAACCTCATGGATTGGATAAAACCATTCTTGTCGGAGAGAAGGAAGCTGAAAACGTGATGGACTTCCG  
GTTGGAAGGAAAATATCCATCCAGATCTGCATTCCAAGTGGCTCAGCTAGCTCTACAATGTATTGAGCAAGAG  
CAGAAAAACCGACCATCAATGAAAGAGGTCTGTCGAGACATTGGAACAAATCGAACTGTGAATGAGAACTG  
ATCGAGACTGGCCGAAACCGTGCTTCCCGTCTGGCATCAAATCGCAATGCTCATCAGCCGCTTACCATAATTC  
TCCACTTCACATGAAGCAATATGGAGGCCATGCTAATCAAACACCACCAAGGTGCCGATAGATTCTCTTATCCC  
ACTCTCATTTCTTCATTTCATATGTTTCTTATAGATGTTAGTTTGAAACTTCATTTTCTAAGATTGTAATTAAGTAC  
TTAGGTTGTGGATGTTGGGAATTAGGACAGTTATTGCATTACACTGGATTCTCAAGTTTGTTTGATATTTGAAG  
TCCAGCTTTACTTATTTTCTTTGTTAGTAAACTTAAATTTTTATCTGTAAAAGAACTAAGTGGCAAACTGA  
TGAAGCCATATTGTCTTTGTAATTAGAGAGAGAGAGCGAGAGAGAAAAAGTGATAACCTAATAATTATTTTGA  
TTCAATACATAATTTACAAATCTGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4303 HM162888|Malus x domestica sieve element occlusion b (SEOb) mRNA, complete  
cds

AAACATAACCAAATTTTACTCTTCTAATTTATTTTCTTTTCTTCTGATCATCTTCTCTCTACACCCAAACCCATGG  
CTACTTCACTCAAGACACCCATTATTCTGCATCAGCATTGCTTCAATCCAAGCAAACAACCACCTCAAGGAG  
GAATTGACCATGAAATATTACTCCGACGACCTTGTCCTGCTGCTACATTTATGCCAAACATCGTGACGATGACTC  
TACTAGAATCGACCTCCCTCGTTACATCTCAGTTATCGAAAACATTCTCACCTTTCTGATAGAATCACTGATGC  
TGTTCTTCGGGGTACTGATGGACGTCTAGTATATTAGATGAATCTCAAGCATCAAATGTTGTGATTGAGCCAC  
CAGTTTGCCTCTTACCATATCTTGAGCGAGCTATCATGCAAGGCAACGGGGATAGAAAGAGCACATGAGG  
TTACTATAAAATCTTTGAAATATTGACAAATTATCCATGGGAAGCCAAGGCAGCTCTGACTTTGATAGCATT  
GCCACTGATTATGGAGATTTATGGCATCTTTATCAATATTCCTCAACAGATCCACTGGCTAAATCTTTGGCAATT  
ATCAAGAGAGTAGCTACTTTGAAAAGCACTTAGACTCACTTAGATATAGACAAGTGATTGTGAGCCCCAACA  
GTTTGATCAATAGCTGCTTGCAAGCAATTAAATATATGAATCAAATTAAGAATTCTCTAAGTATGATGTGAAG  
GAACTTCTGAATTACCTTCTGCTCTTCGTCGAATCCCACTGATTACTTATTGGGTT

>trans\_c\_4304 BT011667|Arabidopsis thaliana At2g32280 mRNA, complete cds

>trans\_c\_4305 AY197749|Solanum tuberosum UDP-glucose 4-epimerase (StUGE45) mRNA,  
complete cds

>trans\_c\_4306 NM\_112947|Arabidopsis thaliana DDL (DAWDLE) (DDL) mRNA, complete cds

>trans c 4307 XM 002883060|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata beta-glucosidase, mRNA

AAAGCAATGAAAATCTGCTTCTTTTCCTTCTACTCAGTCTCATCATTGCTTCAACCTTCGCATCGAAACCAACTT  
ATGACTTCTCCGGCATCATCTTGGACACAGGAGGCCTCAGTCGAGCTGCATTTCCAGAAAGTTTCGTCTTCGG  
AACTGCAACTTCTGCATATCAAGTAGAAGGAATGGCTGACAAGGATGGCCGAGGACAAAGCATTTCGGGACCC  
TTTCGTTAAACTCCCCGGAAAAATTGCTGGCAATGCTACTGGAGATGTAGCTGTGCATCAATATCATCGATACA

AGGAAGACATCGATAACATGAAAACTTGAACTTTGATGCTTATCGATACTCGATTTCTTGCCGAGGATATTT  
CCAAATGGAACAGGAGAAGTAAATTGGAAAGGGGTTGCTTACTATAATAGATTGATTGACTACATGATTCAAC  
AAGGAATCACACCCTATGCAAATCTTACCCTATGATCTTCCCTTGGAAATTACAAGAAAGATATGGAGGTTTA  
CTAGACAAGCAAATTGTGGCCGATTTTACAAATTATGCAGAATCTTGTTCACAAATTTGGAGATAGAGTGA  
AGAATTGGATGACATTTAACGAACCGAGAGTTATAGCTGATGTGGGTTCAATAGTGAATAATGCCTCCTTC  
AAGATGTTCAAAAGAGTATGGAAATTGTACAAATGGGAATTCAGGAACCTGAACTTACATTGTGGCTCATAAC  
ATAATCTTTCCCATGCTAATGTGGTTGATACATATAGGAGGAAATTTNCAGAAAAACAAGGA

>trans\_c\_4308 NM\_001066277|Oryza sativa Japonica Group Os07g0508000 (Os07g0508000)  
mRNA, complete cds

GAGAAGAACATCGTTCGAGTTCAACCAACCACTGAGGCTCGACTGCGGTCGCACATTGCATATACTCCTTTG  
TCGTCAAATCAATTCATGATACACAACATAATCAGGAGTACATCCCATGCCATAAGAGCACTGCTCGGATG  
AAGATGGCATGGCATCCATTTCTGCAGTTCACATATTCTCCACACCCTTCAATCTAGCTGCATTGTGAAAATA  
GGCAGAGCAAATAGCCTTTCTCAGAGATCTGTATCTGGCCAACAAGATGTCAGAGGTATTTCAAAGTCTTC  
AAAATGTCTAACAACCTGCGACCGCACCTCTCGAGCCTTTCTAGCCCTTTAACATGCAAGAAATGGTCATTGCA  
CCAATCTCCCCTGTATTGGTGTGTTCCATTGTTGGTAAACATTATATAACGTTAAATGGTCTGACTCTGGAAT  
GAAAAACCTCTCCCTTGACGATCACTCTCCTCAACTCGATCTTTAGGTGCAAAAAATACTGATGGTACTGAAA  
ACATCGAAACGATCGTTAGTACCTCATCAAGGCACTCAAGTTGCTCGCCCATCAGAAGCATTTTGGCTAGTGG  
GGGATCCAATGGGAACTCAACCATCTTCCACCCAAGTTCAGTCAACCTCCTACATTGTTAAGAGCCCCAATA  
CCCACAATTGGTACATGGAGTTGAGAATGTTATCTGTGGTGGCGGATCCATGAAGTCAAAATCCAGTAGGTT  
TTCAACTTTAAGAGATTTAAGTAGTAAAACAACATTTCCAGGTTAGTTCTTTGGATTCT

>trans\_c\_4309 NM\_126136|Arabidopsis thaliana ARA12; serine-type endopeptidase (ARA12)  
mRNA, complete cds

TGACAACAGCCTACACAGCCTACAAAAATGGCCAATGATCCAAGATATCGCCACCGGAAAAACCATCCACCCCA  
TTCGATCACGGAGCCGGACACGTGGATCCCGTATCAGCTCTCAATCCAGGTCTTGTTTACGATCTAACGGTGG  
ACGATTACCTGAACTTCTCTGCGCACTCAACTACACTCCGTCGCAGATCAACTCACTGGCAAGGAAAGATTTCT  
ACTTGCGACTCCAAGAAGAAGTACAGTGTCAACGATCTCAACTACCCTTCTTTGCGCGTCGTTTTCGATGGTGT  
ATTAGGCGGCGGAGGCAGTGGTTCCAGTGTAGTCAAGCACACCAGAACAACCTTACAAACGTTGGCTCCCCAGG  
AACCTACAAAGTCTCAATCTCGTCGGAGACCAAATCAGTGAAAATCTCCGTCGAGCCGGAATCATTGAGCTTC  
ACCGGAGCCAATGAGAAGAAGTCTTACACAGTCACATTCACCTCCAACGGTTCGGCGGCGCCATCGAGTGCA  
GAAGGGTTTCGGTCAATTGAGTGGTTCGGACGGGAAACACGTGGTGGGAAGTCCGATTGCGTTTAGCTGGAC  
GTAGAAAGAGGACAATGAAGGAGATGGGTCTTGTGAAATTTTCATGGCTAATGGGCCAGAAAGATGGGGGT  
ACCATCGATCTGACATCAAAATTGAAAGTTAATGTAATATTTGTGGAATTCCAGCGGGAAATAGAGCTGGATT  
TTAGTGTTTCTTTTTTCTTTAACATTTTGTCTACTCTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4310 EU373018|Gossypium hirsutum gland development related protein 26-like mRNA,  
complete sequence

ACTGCTCCTTATCCTCAATTCCTCACCCCTCACCTCTTTGGGTGTTAAGCCTTGTCTCTAAAACCTTCTTCTTCT  
CCCTCTTCTATCCCTTCCTTTGATTGAGCAATGGCTTCTACTTCAGCCACTTCCCTTTTCAAGCCTTTATCCAAG  
CCGGATTCTTGCTTTCTCTTTACCTTCTTATTCACTGGCAGACCCCCACATACTTCTCTTTCCCTTCAAA  
ATTCATCCCTTCCATCTTTCCTCGTCGTCTTCCATTCTTCATGCTTTTACCCTTCAAAGAAGAAACCCCATCTTC  
CCTCTGTGGCTCAAACCTCCGACTGGGCTCAAGAAGATGACACTATGACCATTGACCCAAAACCTCGACAACGA  
CGAAGATGCGGACTCAGAAGGCGGCCCCCATTGGGAAAATGAAGAGCTCAGTGAACTGAGTCTCGTATTTCT



TGATTGGGAAGGTGAAGGCGAAGATGGAGGAAGTGAGGCTGAAGTAGGAGGAGATGAAGAAGAAGAAGA  
AGAAGGGGAACAAGGGCCTTATGAAGAGCCAAACGAAGATGCTAAACTGTTTGTGGGAATTTGCCTTATGA  
TATTGACAGTGAAAAGTTAGCAATGCTCTTTGAGAAGGCTGGAAGTGTGGAGATTGCTGAGGTTATTTACAAC  
AGAGAAACAGATCGGAGTCGCGTTTTGGGTTTGTGACACGTCGGCACGTTGAAGAAGCTGAGAAAGCTGT  
GGATACCTTCAACCGTTATGAGTTATCAGGGAGGCTATTGACTGTTACATTCCCGTACCCC

>trans\_c\_4311 NM\_179963|Arabidopsis thaliana FAC1 (EMBRYONIC FACTOR1); AMP deaminase  
(FAC1) mRNA, complete cds

TGGTCAAAGTAGACTAAGGGAAATCTTCCTAAAGCAGGACAATCTAATTCAAGGGCGTTTCCTTGGTGAGCTG  
ACCAAACAAGTATTTTCTGATCTTGCTGCAAGTAAATATCAGATGGCTGAATATCGGATATCTATATATGGAAG  
GAAGCAAAGTGAATGGGATCAACTTGCAAGTTGGATAATTAACAATGATTTGTACAGTAAGAACGTTGTATGC  
TTGATCCGGCTGCCAAGACTTTACAATGTGTACAAGGAAATGGGGATCGTGACTTCATTTCAAACATTCTTGA  
CAACATCTTCCTCCATTATTTGAGGTCACGGTGGATCCAGATTCACATCCGCAGTTGCATGTTTTCTTGAAACA  
GGTTGTTGGTTTGGATTTGGTTGATGATGAGAGCAAATCTGAACGACGCCCTACCAAGCACATGCCAACGCCT  
GCTCAGTGGACAAACGTCTTCAATCCTGCATTCTCATACTATGTCTATTACTGCTATCCAATCTCTACACTCTAA  
ACAAGCTTCGTGAATCAAAGGGCATGACCACTATAAACCTTCGTCCACATTCTGGGGAGGCTGGCGATATTGA  
CCACCTTGCTGCAACTTTCTAACTGCTCATAGCATTGCACATGGAATCAATTTGAGAAAATCTCCAGTGCTTCA  
ATATTTGTATTATCTAGCACAGATCGGTCTGGCTATGTCTCCACTTAGCAACAACCTCCCTATTTTTGGACTATCA  
CCGGAATCCATTTCTGTGTTTTTTCTCGTGGTCTAAATGTTTCTCTTCCACTGAC

>trans\_c\_4312 AB264546|Nicotiana tabacum hsp90 mRNA for heat shock protein 90, complete cds

ACTTCTCTTTTAAGCCTCCTCTTCCCATTTCTCCTCCATTTCCCTCTTTTCGATCGACGTCTTCAACAATGGCGGAT  
ACTGAAACATTTGCCTTCAGGCCGAGATTAATCAGCTACTCAGTCTCATTATCAACACCTTTTACAGCAACAA  
GGAGATCTTCTCCGTGAACTCATCAGCAACTCCTCTGACGCTCTAGATAAGATTCGATTTGAGAGCTTGACTG  
ACAAGAGCAAGCTCGATGCTCAGCCTGAGCTTTTTATTACATCATTCTGATAAGGCAAATGGCACACTGTCTG  
ATGTAACACAGTGATTGGAATGACCAAGGCTGATTTGGTGAACAATCTTGGTACCATTGCTAGATCTGGGA  
CCAAGGAGTTCATGGAAGCTCTTGACGCTGGTGCTGACGTGAGCATGATTGGACAGTTTGGAGTCGGTTTCTA  
CTCAGCTTACCTTGTGGCTGAGAAGGTTATCGTTACCACCAAGCACAAATGATGATGAGCAGTATGTATGGGAG  
TCCCAAGCTGGGGGTTTCTTACAGTCACCAGAGACACATCTGGTGAGAATCTTGGCCGAGGTACAAAGATT  
ACCCTGTACCTAAAGGAAGATCAGCTTGAATACCTTGAGGAGCGCGTCTTAAGGACTTGATCAAGAAGCATT  
CTGAGTTTATTAGCTACCCAATTTCTCTCTGGGTTGAGAAGACCATTGAGAAGGAAATTTCTGATGACGAAGA  
TGAGGAGGAGAAGAAGGACGAGGAAGGAAAGGTTGAGGAAGTTGATGAGGAGAAGGAGAAGG

>trans\_c\_4313 AY108819|Zea mays PCO069329 mRNA sequence

TGAAGATTATGAGTTGATGATAGGTGTTGACAGTGACCGGGATGATCCTGTGCAAGCTGAGCTTGCAGCAGA  
TGATGTAGCATCTGTTCTTCCAACGACATAACAAGAAACAAATGGATAGATTATGGGTCCAAGGAATATTGC  
CTTATTCTTACCAGGAACACTGAGCAACCTGCCAAAAATCTTAAATTGCGAGCCAAGATTAAGATCAGCATGG  
AGTACCCTCTTAGGCCTCCTGTCTTCACTTTGAATCTCTACACAATGAATTCTGAAGAAAATCTGTAAGAGAGT  
GACGACTCTGATTGGTATAACGAACCTCGAGCCATGGAAGCTGAGGTGAATCTCCATATACTTAAGATGCTGC  
CTTTGGATCAAGAGAACTATATATTGTCTCATCAGATTCGCTGTCTTGCTATGCTGTTTAACTACTGCATCAGCG  
AGGCATCCCTTTCTCGGAAAGAAGAAAGAGTAGTTCTGTAATTGACGTTGGATTGTGCAACCTGTTAGTGG  
TAGTCTACATGCCAGATCGTTTAGAGGAAGGGATCGTAGAAAGATGATATCCTGGAAAGATATTGAATGCAC  
TCCGGGCCATCCTTGCTAAGAACTTGGGATCTTTCAATATTATTTAGCGCTTTCTGCTGCTGCTGGTTGTGG

AACAGTTCGAATGGCATTATTTCTTTATTAGACAGTTTCTCCAGTATTGAAATATTGATGGATGTAGTTCACAGC  
ATTTGGAAATGTTCTATAAAAAATGCCCCGAAACTGTGTATGTCCAATGAGATCGTGTATTAAAT

>trans\_c\_4314 BT025731|Arabidopsis thaliana At2g01870 mRNA, complete cds

AAAGCAATTTTCATGTGGTAGTGTAATTAGCAGCTTCCAGATGCTTTCCTTCAGTCTTTCTTCAATCAAAACCAG  
AGGCCGCCATTTATAGCCACCAAGAAATGCTCTGATGGTGTGTTTGAAGATAAGGAAATTTACCCATTTTCATTA  
TTCTGCTTCTCATTTTTCCATTTTGTGTGCAAGGGAGTCAGATTCTCAACAGTTTGAGGTTGACCCAGATAAGG  
CTAGGCAAGCCCTTCAAGAGCTTGATCAACAGCTTCAATCTTTCTCCAAGAAACAAGTCTCTTCTCCAAGAAG  
AAAGTTGTTCAAGATATGAATCTTCCAAGAAGCCAAATGAGAGGAGAAATGACAGAGATTCCAGGGACTCTT  
TTAGCAAATTCAGCTGTTGTCCTCTTCATCTTCTCCATTTTCTACAATGTGCTGTTTATACTGTCATAAAGCCTT  
CCATTGATGGTCCATTACCAAGTTCTATCAGTTCTGACTTTGAAAAAGAATCCACTCAGCCATCAGTTCTACAG  
CAGCTTCCACTTTTCATCTATGTCCATATCCCCCTCACTTCTTAGTTAAAATATTTAATTATGATATTACAGAACTT  
CAACTATGGTTATCTAAATTGTATACATCAAGAAAAAGTGATCGAGATTACTTTGTTTACAGAGTATTATATTG  
ATGGTATGCCAAAGAAAGCATAGCTTGTGCACTTATGTACTAAAGATTCTAACTTTAAGGTAGAATAAGTTAC  
GAAGAAGGTTCTTATGTACCTTCTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4315 NM\_100536|Arabidopsis thaliana PDS1 (PHYTOENE DESATURATION 1); 4-  
hydroxyphenylpyruvate dioxygenase (PDS1) mRNA, complete cds

TCTGGCTCTCTCCAGCATAAAGGTTGCGCAACCTGCCCGCCATCTCTTGTGTTGCGAGCTCCACCCATGATGCCA  
AAACTTACGGATTTGCAGAACAGCAAACGACCATGACTTGACTTGTTGGAGTTGATGAGTGAGGATATTTTCA  
GAACCTTGAGGGAGATGAGGAAACGAACACCGTCCGTGGATTTGAGTTCATGCCGCCCCCGCCGCAACAT  
ATTACAAGAACTTGAAGAGCAGGGCGGGTGATGTGCTGACGGATGATCAGATTAAGGAGTGCGAAGAATTG  
GGGATTCTAGTGGATAAAGATGATCAAGGAACCTTGTCTCAGATCTTCACCAAGCCCGTGGGAGATAGGCCTA  
CCATATTTATTGAGATAATTCAGAGATTGGGATGCATGATGAAGGATGAAGAGGGGAAAGCATATCAGAAAG  
GAGGGTGTGGTGGCTTTGGAAAAGGAACTTCTCCGAACCTTTCAAATCCATTGAAGAATACGAGAAGACTCT  
TGAAGCCAAACGAGTTTCGGAGTCAGCTGATGCTTGAATCAATTCCATTAGTCTAACATATCGAAGCCAC  
ACTAATAAGGTACTTTATACTTGTGTCAGTAAAGCAGCAATAGAAACCAACGAAGCTATTTATTAGCTTCAT  
GAGTTCTCTGTATAGTTTCTAATGCATCTTTATTTGTCTCATCTTAGTAAGTAATTGTGTGAATAAACCAACTT  
CTATTAATAAAATCAGCAGCTGTTTTCGTATTGAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4316 XM\_002865992|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ARF-GAP domain 5 (AGD5), mRNA

CATTTCAATGGTACGGTCTGCTACGTTGGATACTTGGCTTCCAGAGCAGGTTACTTTTATACAGTCAATGGGGA  
ATGAGAAGGCCAAACAGTTATTGGGAGGCAGAGCTGCCACCAAATTATGACAGAGTTGGGATCGAGAATTTTA  
TTCGTGCAAAATATGAAGACAAAAGATGGGTTTCTAAGGATGGCAAACCAAGATCACCAGCTCGAGTGCAGG  
AGGAAAAACCTGCTTTTCATGGGCAGAGGGCGGCGGAAAGAAGTGGCTCAGGGTATTGAGGCCATTCTGAA  
AATTTGTTGAGGAAAGGAAGAGAGTTCAAACCTATTCTGTGAAGGAGAGTATACCTGCCACGAGAGTTAGT  
CTTCCTGTTCTCCAGAGGACCTGAACAAGTTGCTTCAGCCCCCAAACACGCCAGGAGCAAAAACCTGAAC  
CAGTTGTACAGCAGGCTGAAGCAACAAAACAGACTACAAATAATGCACCAGCTGTCTCTCTCCAAAAGTTGA  
TTATGCTACCGATCTTTTTAACATGCTATCCTTTGATGGCCCCTCTGATAATGGTTCAGCGGCAGTTTCCACAGA  
TGATAGCACATGGGCTGGCTTCCAGTCGGCTGAAGAAGCATCGTCAGCAGAGAAATCTGGACCAGCAAAACC  
AGCTGAAGCCACTACCAATCCACTTCTGCAATTGAGGATCTTTTCAAAGATACAACTTCAGTTTCATCTTTAGT  
TCCTGAAAAACCTGCAAAAGATGTTAAACTGATATAATGAGTCTTTTTGGAAAGTCCAGTATGGTCT

>trans\_c\_4317 Novel Gene

GGCGCTTATGAGGGCTTTTGATTTGTTATCTTCTCTGTTTTTTCAGCAATATTTTCGTCCTTTGGTTTTCGCCGAAT  
GTACTTAACATTATTCTATTTGGGTTTTGTCCAAATATTCTAGCTAATTTCTAAATATAGGTATACATAAAATA  
GATAAATCATAGTATGTACCGCCCTAACAGACACCACTTTCTTCCTTGTTTTATTGCCAACCCCATGCCTATAT  
CCGGATGGTCCAGCATCTGATAGAGAGATGCTTGCTGCTTCATATGAGTCGAGATGAGTGCCTAAAGGCATT  
GGCTCACCATGCAAATATCCGTCCTCTCATTACACTTACAGTGTGGAAGGAGCTCCAGAAAGAGAACTCCGAC  
TTCTCCGAGCATATTTCCATACCATTCTCCCAATCCATTCTCGCCAAATTCACAGGGAGTGAGCGGAGCATC  
GTCAGAAGACAATATCTCTACCGGAGGTGACCCGTTAATAATTTGTAATACCAATATATATATATATATGATGA  
TGATGATGATGATTAATTAATTCAAGCCTAGTTGTTTCTTGATCAAGTAAGCTCTTTTATTATTATTTATTTG  
TTTTGGAACAAAGTATATATATATAGATAGATAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG  
AGGAAAGTCTGAATGCTAAATGTAAATCCTGTTTACTCAACCGATTACATTTTTTTGTTTACCAAATTGATAAAA  
GGGATATCCTTGCACTGCAAAAAACAAAAA

>trans\_c\_4318 XM\_002864797|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger (CCCH-type) family  
protein, mRNA

AGTGCAGAAAGTAACTTTTTTTTGTGCAAACCTTTCTTGTTTTAGTTCTCACTAGCAATTAGCGTCAACCCAA  
TTGCTATTTGCTACAAAAGTTTTATTTTTCACTACACCCATTTCTCCATGTACTTTATTTCTGTAGCTAGGGTT  
TTTTGGGTTCAAATGTGAAGCAAATGGAACCTTCTGAAGCTGTTTCTGTCCCTAATCACTGTGAAGCACCGC  
CTTCTGGGTTTCAATCTTCACAGCTTCATAGTTCTGTTTCATGATCCTCCACCATTTGATGCACAGCATGTAACCA  
CAGATGATCGCATCCATGCAGAACTTCAGAAATTGGATTTGAAGGATGAGAAAGAGGAACCCGTGAAAGATT  
TTGATGATGGTGGAGAATGGGAAGTTGAGAAGAATCCTTACGAAGATGAAGGAAATGATACGAAGAAGATC  
GATGAAAATGATCGAGATAAAAGCGTTAGAAATGATGATGATGATGGTTATGATGATGTCGATGAGGAGGTT  
GATGCCGCGACGCGACGCGGTGAGGTGGAAGGAAAGGGGATTGGAGAGGCAAAAGCAATCAGTACC  
CAGTACGGCTGAGGCTGAGGATTGTGCGTTTTACCTTAAGACCGGACTTGCAAGTTCGGGTCATTTTGCAA  
ATTCAATCATCTGTTGAAAGAAAAACCAGTTGTTTCTGAGAAATTGAAATATGAGGATGATTGAGCTGGG  
ACAGCAAACAAAGCAGAATGCAAGTTTTACTTGAGGACTGGGGTTGTAAATTTGAAATGCTTG

>trans\_c\_4319 AY054662|Arabidopsis thaliana Unknown protein (MIJ24.9) mRNA, complete cds

ACCCCCAATCATCGTTGTTTGAAGGTTCAAGCGAAGGGAATAAGCAGCGATGTTGAAGTTCCTATCTAAAGTG  
AAGATCGAATTCAATGCTCTCGATCCACGTTTAGCGTGTTGTATGGAATTCTTGGCGCAGTGTAATGCTACCAA  
GTCGAAGGAATCAACCCCGCTTGCCAGTTGATCGTCAAGCGCCGAACAGACGACCACCTCCCGAGATCGCC  
GTCACCTTCGTCAATGGAGTCGAAGAGGTTTTTGACGCTACCTCTATTTCTGCTCAAACAATCAGGAATATGAT  
TCTTGAAAAGGGTCAGCTCCTTGAGACCGAGCAAAATGTTCCGAGAAGCTGGGGAAGCTTGGCCCGTTATCATT  
CCCGAGGAGGAGCTCAAACAACCCCTTACCAGTATCAAGCCTAGAAAAGCGGAAGACAATTGAGGATAAGG  
GATTGGAAAGAGGCGTGGCATCTAGTTTCATAACCTTAGGCTGTCAACAACAGAATCAGTTTCCATGGATTAG  
CAAGAGCGCTGATCCTCAGATGTTTTCTGTTTTAAATTTATAGGGATGCCTCCAAGTCTTGTCTTCTTAGAATT  
CCGCGTTGGGCTCTAAATATGATATGTGGATGCTGTTGGTTTTATAAGCAATTTATCTGTGGGAACTCGTTAC  
CAATACATGCTTTATAAGAAATTTCAAATTGGAAGTCTAGGATTTGCGTTGACGTCGAGCTGACACAAACA  
ATGCCAGTCTCAACTTTCTTACGATTTTTGAGTGAAGAAATGTGCAACTAATCTTCAACTAA

>trans\_c\_4320 BT029027|Arabidopsis thaliana At5g01980 mRNA, complete cds

GGAATTCATGTCCTCTTTGTCGTTATGAACTTCCAACCTGATGATCGAGATTATGAAGAGGTAAAGCGAAGTAG  
TATCAATACTGCAGCCACCCATGCACTTCAACCTTGGGTAGTTGGACTCGAAAATCCAGTGGCTTGAATGGA  
GTTGGAGCAAATCTGAGTTTGAATCTAGCCAAGAAGAGGATTACAGGAACATAGACTCAGCAGTTATTAGTA  
GTAACAATTCAGGTAGAGGAGGTAGACGACGTTGGCTATTTGTTGCTGCTCCAATAGTTGGTCTTGTAGGTAT

AGCCCTGATGTTATGGTTTGGCAATCCTTTATGTGATCAAAGAGTTCCGGGAGGTCAATTAACAGACGGGAGG  
CAGCTTGATGCTCGCAGTGCAGAATCGTCAAACCAAAGAGAGAACAGAACCCAGGAGATGGTGGTAAATCGTC  
TAGCAACCACGAGGCTTAGTACAAAACAAATTGATCTAACACGAGCTTTCTTGTTTTGTTGATTTCCCAGGAT  
TGAAGTGTAAGGATTTTCAGGATGTAGTTGAGTAATATTTTCAGTTTTCCGAATGTGTTGAAGAAGAAGAGTTG  
ATTTAACTCACAAAGCAGCAACTTGTCGTTGCTGTGAGCACAATGGGGCAGTAATAAATAGGCCAATTGG  
TTCTATTGTGCATGTATATACTTCTTACAATTTGTGTAAATAGAACTATATATTTTAATTAATAATAATTTT  
GTTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4321 Novel Gene

GGCTAAATTTTTTTGTAGTTATTCATTTCTTTACAATTGGAAGTTCCGTCGTCTCTATGCTGATACCATTGCGCGT  
TCGGAAAATCGGGAAGATAGAACAGTGATTTGTAGAGCGGCATGCCGTCCTCTGCATCAGCTCCGGCGTCTCC  
TACGTCGGCGTCTCATTACAGAATTCTGCTACCCAACCTTCCCCTCGGAAAACTTGGCTGAGGCTGCAAACA  
GTAATGACGCCGAGGAGAAGAAACCCGATTTGACAGATCAATTTGAAGATTTTTATAATTTCAATTCCATTGA  
GAAGTACCAGAAATATGAAGCTGACTACGCTCAACGCCTAATGGCCAAATACTTCTCAAAGAAAAACCTCTAT  
GGAGGAAACATCTTTGAAGAGAACACAACCTGTCGACAATGAGATTATAAAGTCGAGCAAGTGGCCTTGTACA  
AGGTCTTTTCGCTGATCCTTTGCAGGGTTTCGAAGATCATAGAAGCAGCTGTTCAACATCCGCCATGGAAAGCC  
ACAGCGCCATCTCAAATGGGAAGCATGCTGTGAAGAAAAATGGATGATATAAGAATGAAGAAAAATGGGGG  
TGGGACTTTGTGTAGCTTAGTGCAGGACTTCGGATTTTCGGGTAAATTGCAAAAACCATACCCCCCTTAACATTT  
AACTGTAAAAATCGAGACCTCAAACCTTATATAAGTATTAATAAATAAATCTCAAACCTTAATAATTATTATAATT  
TCTACAATTATATGAGGATGAGGATCCAACCTGATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4322 Novel Gene

TGAATTTTTATTGTAAAGTAAATCAAAGGAGCTCATAGGTAAGATTCTATAAACAAAATTCCTTGCTTGTTAA  
CTTAGCATTGGCGAAAAAGCCGATTGGCATTGGGAAGGTCCGGGTTTCGTTTCATCAGAAGAAGTTCAGTGAC  
GAAATCACAGCGAGAGAGGTTGGAAAATGGCATGGAGAGGACAGCTATCCAAGAATTTGAAGGAGCTTCGA  
ATCTTACTCTGCCAATCATCTCCTTCAAGCGCCCCGCTAGGGCTTTTGTGAAAAAAATTACAAGGACCTCAA  
GACTTTGAATCCCAAATTTCCAATTTGATCCGCAATGCAGTGGAATCGAGCCCCAATTATGGGCTAGATATG  
ACATGGGCATTGAGAGGGTTGCTCGTCTGGAGGGGTTGAGTGAGGCACAGATCTCAAAGGCACTCGAAGAC  
CTGGTTAAAGTTGGGGCATCATGAAGGAATAATCTGCTGTGCTATTGTTACTGGCAACTGACGTTAATAAATG  
CACGAGTGGAACCTTTGTTGAGATGCTTTCCGTTTACATTCTTTTCAGTCCGCTTTTATGAGATTATCTCTCAA  
ATATTCATCTTGAGTAATTGTGTTTCTGCTACGCAAGCCTATTTGGTTTGTATGAATAGTTTCTCCGAGAGTGTT  
GTCATAATGGATACTCTTTGCGATGCAATGAGAGATTAGATTGAAAGATGTTAAATATGAGAGAATATTTGG  
ACGCTTTTTTAAATGATGAGGATAAATTGAAAAGCATTACAACGTTAAGTACTAAAACATATGAT

>trans\_c\_4323 NM\_001060698|Oryza sativa Japonica Group Os04g0663300 (Os04g0663300)  
mRNA, complete cds

AAAAATGAATAAAATGTAAGAGAAAAACCCTAAACTCTTTCATCTGTGCTCAAAGCCCACTTCTTCTTCTCCTC  
TTCTTCTTCTTCTCAGGACGTCTCCTCCTCTTTTCAGCAGCTCAGCCTCGCCTCCGCGGTGCGCGTCTACTTTC  
TTCTGTTTCGTGCCGCCGAGCCTCCCCTAGCGGTTTTTTACTGATTTTCTCACCCATTATTACTGGTTACAAATTT  
TACTGGGACTTGATAGATTGTTGCGGTTGCATAAGCCATGGCCAAGCATCATCCTGATTTGATAATGTGCAGA  
AAACAGCCAGGAATTGCAATTGGCCGCCTATGTGAGAAGTGCGATGGGAAGTGTGTAATCTGTGATTCTTAT  
GTCCGACCCTGTACGCTTGTTTCGTGTTTGTGACGAATGCAATTACGGGTCTTTCCAAGGCCGTTGTGTGATCTG  
TGGAGGAGTAGGAATTTAGATGCTTACTACTGCAAAGAGTGACACAGCAGGAGAAAGATAGAGATGGAT  
GCCCAAAGATTGTTAATTTAGGCAGTGCAAAAACAGATTTGTTCTATGAACGTAAGAAATATGGGTTCAAGAA

ACGATGAAGCAAAAACACATTGAGTTTCCTTCCTAAGATGGATCTTACTGTAATATGATGAATTTCTGACATCT  
AATCTCAAAACTCTCTTAGACATGTATGTATATGCTGATGAGTCAGAATGAGAACAGTTGTTGGGGCTAAGGC  
TATTCATAAGAATTAAACTTTATCGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4324 FJ600365|Gossypium hirsutum dirigent-like protein 2 (DL2) mRNA, complete cds

TTCTATCTGAAGTCTCACAACAGACTAACTTCAAAATCTTCCATTCCATGGCTGGAATCTCTCCCATCTCCGCC  
ACCCACTTCTTCTTCTCTCTTCTCTCTCCTCCGTCGTAGCTTTGGCTATAGCCGAAGATGAACCTTCCTTTG  
CAAGAACAGTTGAGAGAAAACGTTTGGGTCTTAGAAAAGAGAAGCTCAGCCACTTCCGTCTCTACTGGCACG  
ACGTTCTAAGTGGAATAACCCAACCTCAATCCAAATCGTTCCTCCCGTTTCGAACACTTCAATGACCGGATTC  
GGTTTGGTTAACATGATCGACAACCCGTTAACAGAACTCCAGATCCCAAATCCAACTTTGGGGAAGAGCAC  
AGGGATTGTACGCGTCGGCTTCGCAAGACAAGTTTGGGTGTTAATGGCGATGAATTTGCGGTTTGTGAGTG  
GGAAATACAACGGAAGCTCCCTCACCATATTTGGAAGAAACCCATTTATGGAGAAAGTGAGAGAGATGCCTG  
TGATCGGTGGAAGTGGGCTGTTTCAAGATTTGCGAGAGGGTATGCAGAAGCTTCAACCAAGAAGGTTGATTCA  
AAACAGGGGATGCTGTTGTTGAATATAACATTTACGTACTTCACTACTGAATTCGCTTCGTTCTCTCTGTTTCT  
GTGTTTCGTTTCTTTGAGGAACCTTTCAATAATTTAAATGTTTATTGTTTAAAAACATTGTTAACCTTACA  
TTTAACTTTACTCATCCAGTTGAAGATTTATAAAAACATGAATTAATAATATTATAT

>trans\_c\_4325 NM\_100546|Arabidopsis thaliana aldo/keto reductase family protein (AT1G06690)  
mRNA, complete cds

TCCGGTAGTCTGTATATAAGACTATAATTCACCTGGTTTGAAGCTAGTGGAATACCTCTTTTCTTGAGCTGCTC  
ATAAGCTTCTCGAAGTCGCTNNTCGTTGTAATTTGAAACACCAACCGCCTTCACAAGTCCCTGCTCAACAGCAT  
CTCCAAGACCATCAATATAACCTTCATTTCCCATACTCCAGGCCAATGAAGTTGATACAAGTCAACCGATGCA  
AGACCAAGGCGAGAGAGGGAATCCTTAAGGGCAGTTATGACACTTTCACGACCAACCTCCATGGCAAAGCA  
GCAAATTTTGTAGCAACTTCAACCTCAACTCCTGGATCCTGGGCCTTTCTTTCTTTAATAAATCTTCTAGAGA  
GTTTCTGAATTTATAGCACCTAAAGCAAGTGAGGAGCCATAAACTTCAGCAGTATCAATGAAGGTAATGCCAC  
GGTCAACACTGGCATTAAATGCAGCCTTAGCAGCCTTCGTCATCACATCATTCCATCCAAAGTCATTCCAATAG  
CTGTTATCTCCCAAGCCCAAGCTCCAATTCCAAGCCTACTGACTTTGAGTTCAGAACCACCTAATTTACATTG  
TCTTCTGTGATGTCATTGTGCCAAAACCTCAGACCCAGAGCCCTAACTCTGAAAATTCTACTGCGATTGAA  
TGGAGGAATTGATAAACAACAAACGGAACATAAATGCACCGCCATAGCTCAGGCAGTGCAAAAGGTGAAAG  
AGAAGGCAATAGAAGCTTTGAGAGAAGCAAGTTAATGGCGGTAGAAGATGTGAGCCAAAT

>trans\_c\_4326 NM\_001072883|Oryza sativa Japonica Group Os12g0194700 (Os12g0194700)  
mRNA, complete cds

CAATCCCTTTAGCGCATTCAATCCCCCTTCGACAGTTCGACGTTACATTTGCGCGATAAGATTCCGGCGACCTT  
TACATTCGCGCGCCGGCCTTTGCACATTTAGATCGTAAGTTCGACGGCACGATTGCCTTTACACGTTCCAATC  
GCAAGTTCGACTGCACGTTGATCGCAAGTTCGACGGACTTCACATTTTGGGTTCTTCATCTTGTGTTGTCGG  
GTTCTTCATCTTGTGTTTGTCCAAGCAATGGAACATGGATCCTTTACAGATGAGACCAAATCAACATTTTCTATGG  
CTGATGAAGATCATACACTTGCAAATGCTCTCAGATACACTTTGAATCAAGATCCAAGAGTGACATTCTGTGG  
GTACAGCATCCCTCATCTTCAGATAATCGAGTTAATATTAGAGTCCAGACAACAGGTGATCCTGCTAGAGAA  
GTTTTGAAAGATGCTTGTGCAAACTTGATGGTGGTGTGCCAGCATGTGAGGAACACATTTGACAAGGCTGTGC  
TTGATTTCAATCTACCAAAGCAAAAGAAGAACCTGAGGGAGACATTAGTATCGAATAGAATGGGACCTTTGT  
TTTTCTTTGCCTTGTAATTTTACCCTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGTTTACAGTTTATTGAGATAGATTTGTTAGAA  
AGAGATTAATTCGTTGAATTTTGCTTGCCTTTATTGGTATCTCAACTGATGGCTTATCCCTCCCTTCAAGGATT  
TCATGTTAAATAGTAGATTTGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

[illegible]

GAAGAACTAGAAGAATTAATTCTGTTGGGTCTCTTCTGTATTCTGTTTGTGAATTAGGGCAATTTCAATTTGATT  
AAAAATGGCGTTGCAATGGATGCTTTTGGCTTATACGGTGGCAGTGAGAGGCTGCCATCGCCATTCTCCTTACC  
GTTCCCTTCGCCTAAGTTGTTGAAGAAGCGTTTCGTCTCTTTGATTTCACTCATTCTACAACCTGCACTCTTCGTTG  
TGCCCTTTGCCGGCTTTCAGATTCTGGATATCTACTGGAAGAATGAGCATCGGTTGATGTGCACATCTGAGATC  
TGTACTGCTGCTGAGAGGGATCGATATGAGAAATCTATCTATAAAGCTCAGAGGAATGTGATTCTGTGCGTTG  
CTGCATGTCTTCTACTGGTGTATCTACCGCGTTTGCAAGTACAACAAAGAGATCGAAAGTTTGAGAGGAGGT  
AGAAAAGAGATACAAAGAACAGTAGGTTTCAGAAAATATGAAATCCTGTTCCATGTTGAACGGTTTTTTTTTCT  
TTCTTTGCCACGGCTGTGTTATTCATACTTGAATCTTTGTTTGTACTCAAGTATTGGGAGTATCAACGTTACTA  
GAACACTAAAACTTTGTTGATTTAGCGGCGTTCAAATATTAAGCTCCATGAAAAATGAACTCATACCATTACT  
GTTGTTGGATTAGTGGGAATAAAACAATTTTAGGTATGGACATAATTGCAAGGATATAGAATGATCTCGTGTG  
TTTTATGAAGGAACTAGAGTTTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

CTTTTAAGCGACAAAGCCCCGAGCCCGACTCTACTTTCGAAGTAACAGAAAGAAAAGCAACGACTGGAGTGG  
GAGATCCTTCGTATACGTCAGGAGTCCATTGATGAAAAGGGGCTAGGGAAAGCTTGAACCAATTCCTACAGT  
GATGAATATAAGCGCAATTGAAATTCCTGGGGAGTTATACATTTGTGTATTGAGAAGACCATTTACTATTTCTT  
GAAGCTCGATCTCTCCCCGGATAAACCATATAGCCAAGAGAAACCATAAACCAGAATAGAAGAACTTGCCCC  
ACCCATGAGTAAATATTTCATAGTAGCCTCATTAGACCGTACATCTTTCTTGGTATATCCAGATAATAGGTAGG  
AGCATAAACTGAAACATTCTAGAGCTACAAAGATAGTTATTAATCATTAGCACCGCATAAAAACATTCCTCCT  
AGAGTAGCTGTTAATACGAATAACAGAACTCTGTTATAGCCATTTCTGTACATTCAATGTACTCTACGGATAG  
AGGAATACATAGAGTTGAACATAGTAAAATAAGAAATTGAAAGATTTGTTGAAATTGTTGTTTGGAAATTT  
CCCGAAAAGCTAATCATAGGTTCTTCTCTCCATCGGAACAATAGGGCCGTTATGCTCATTACTAACTTGTTGA  
AGAGATGAAATATAACACCTTGCGCGAGGGGTGATCAGAGGTTAAATCGATCATCAGAAGAAGAATTAGGCC  
AAAAATTAGGATACATTCTGGGAAAATAAAACTTCATCGAAGAGAAGCAATGAAAGGCTTT

ATACATATTTGGTTTCTCTTTCTCAAATCGCAAACGCTTCTCTCTCTCTCTGTATTCAAACCTCACCGA  
ATCCCAAACACCCACCATGTCTTCTGGCCGGAAAATCACCTTGAAGAGCTCCGACGGCGAGATCTTCGAGGT

CGATGAAGCGGTCGCCTTGGAGTCACAAACGATCAAGCACATGATCGAAGACGACTGCGCCGATAGTGGAAT  
CCCCCTTCCTAATGTTACCAGCAAGATCTTGTCCAAGGTTATCGAGTACTGCAAGAAGCATGTGGAGTCCCCTA  
AGCCTGAGGATCGTACTGGCTCCGTCGACGATGACCTCAAGACTTGGGACAGCGAATTCGTCAAAGTCGACC  
AGGCCACCTTATTTCGATCTCATTCTGGCTGCAAACCTATCTCAACATCAAAAGCTTGCTTGATTTGACTTGTCAGA  
CGGTGGCTGACATGATCAAAGGAAAGACTCCAGAGGAGATCAGGAAGACATTTAACATCAAGAATGACTTTA  
CACCCGAGGAAGAGGAAGAGGTTTCGTAGGGAGAACCAATGGGCATTTGAATAAAAAAAGAGTAAAGGGAT  
GGAATCACTTATATGTTGTTAACTTTTCTCTTGCGCATGGTGATATTTGATGCTTGTTATCTGTTGTGTTAA  
CTCTTGATGTTTCGTTGGGTGTTAACTATATATTCTACAATGTTATCTTTCATCCAACCTACCTGATTCGGCTT  
CAACATTTTTATTAATATCCTAACTTGCTGCTATTAATGAAAGGAAATACTTAAATCTT

>trans\_c\_4331 FN393041|Carica papaya mRNA for Cop11 protein, cultivar Sunrise

ACACATTCCTGAAACACACACACACACAAGTACGGTCACTTTCTTCCCTCCCAGTAAACCCTAATTCTCCA  
TCCCCAATTCCCATTCTTCTCTCAATTCCTCGATTTTCGATCTTCCCATCGCTATGCAAGGCGAGGACGAGCC  
CTCTGGCAGCGCAACGATGGTGAAGACGAGATCCACGCCAACGGCACTACCTCCGACGACCACAACCGCAA  
TAGACCCATTATTACTGGCGAACAGCTCGACATTGAAGCTTATGCTAGTCTCTATTGGGGTCGTACCAAGATCA  
CTCGCTTATCTTCATCGCTGACCACTGCGGCGCGGAGACTAACCAGACGATGCAGCTCGAGGCGCTTCGCAT  
GGCTTACGACGAGATTAAGAAGGGGCGAGAACGCTTTGTTGTTAGGGGAAGTTGTGCCGAAGATTGATGGTAG  
GTTGGGGCCTAACTATGGGATGGATGCCGCTTGGTGTGAGATGGTCGAGCGGAGGGCTGAACAGAGGAAGG  
ATAAGCTTGAGAATGAGCTCAATGCGTATAGGACTAATTTGATAAAAGAAAGTATAAGGATGGGATATAATG  
ATTTTGGGGATTTTTATTATGCTCACGGTGCACCTTGGTGATGCTTTTAAAAGTTATGTTTCGTACGCGTGATTATT  
GTACTACATCAAAGCATATTATTCATATGTGCATGAGCGCAATTCTTGTGAGCATAGAGATGGGCCAGTTTACT  
CATGTCACGAGTTATGTCAGCAAAGCAGAACAGACCCCGGAAGCCCTTGATGCAATTACTAGT

>trans\_c\_4332 NM\_111005|Arabidopsis thaliana VMA10 (VACUOLAR MEMBRANE ATPASE 10);  
hydrogen ion transporting ATP synthase, rotational mechanism (VMA10) mRNA, complete cds

ACCCATAACTTCTCTCCTCCCTCTTTTTTCTTCAACAACACCGATCCCGATTTCTCTGAATCTTCCAATTTCT  
TCGCACCCGCAAACTCTCCGATCTTCAGGGGAGAATATGGCGACTAGGGGTCAAGGTGGTATCCAACAATTG  
CTTGCTGCGGAGCAAGAAGCTCAACACATTGTCAATGCTGCCAGAAATGCAAAATTGGCTAGACTGAAACAA  
GCCAAAGAAGAGGCTGATAAGGAAATTGCTGCATATCGTGCCCAAGTCGAGTCTGATTCCAAAGAAAACCTT  
GCTGAGAGTAGTGAGATTCTGGGAGCTAATGTTAAGCGGCTTGAAATCGAGACAGATGAAAAGATTTATCAC  
CTGAAAGAAGAGTCTGCTAGAATTTACAAGATGTTGTGAACATGCTCCTGAAGCATGTGACGACCGTGAAA  
AATTGAGCGTTCTTGATCATAAAGGTTTGCCGTAAGAACCTCTATATTATGTTATTTCTTTTGTGGTGCTGGAA  
ACGGCTTAACTGCATGTGTATTATGGAGATGAATCCTTTCTTTGTATGGATAAGTCAGTATTTTGCAGATTG  
CACTCTTTTGAATAATATATGATTCCATTAGTGTTGAGAGCTATGATTGATTAATTTCTTTTCATCTCTAATAA  
TTATAGGGTGGGGGGGATTGAACAAATCCATCTTTGAAATGTTAATTGTATCTTGTGCGCTTGTCTATTGAGCT  
TTGCTCGTTTATATTGAATGTTTGTGAGATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4333 X82030|P.vulgaris mRNA for RNP1 chloroplast RNA binding protein

TGTTACCCATCTCCTCCCCATCAAATTCACCACCATGGCCGCTGCCGAGCCGCCACCGGAGCCTCCTTCTTC  
ACCACTCCCTTAAGGGGTTACGGTCCAAGCACTGGTTCTCTGATTCTCTCCTCGCAACTCCATCCACCCAAGTT  
CTGCCATATTGTCCGCTCTCTGACCATTGAATCGCTCCGCTTAGAGCTTCTCGAGGAGGTGGCGGCCGGT  
TCTGATCATCTCGGCCGCCGTTGTACAAGGAGAGACGGCTGTGATGGTTGGAGTTGAAGAGGGTGTGGAGG  
AGGAGACGGCGGTGGAAGGCGGTTCTCCAGTGAGTCTGGGAGTACTAAGCTGTACTTTGGGAATCTGCCTT  
ACAGTGTTGATAGTTCACAGCTCGCCGCTATCGTTCAGGATCATGGTGTGCTGAGCTCATTGAGGTTCTGTAT

GACAGAAATACTGGAAAAAGTAGAGGATTTGCATTTGTAACCATGAGCAGCATTGAAGATTGCAATAAAGTG  
ATTGAAAATCTGGATGGAAGTCTTACATGGGCAGAAATTTTGAGGGTTAATTTCTCAGACAAACCCAAGCCCA  
AGGAACCTTTGTATCCAGAACTGAGTATAAACTTTTTGTCGGAACTTATCCTGGTCAGTAACATCTGAAATT  
TTGACACAAGCATTCAAGAATATGGAAATGTGGTAGGAGCAAGGGTCATTTATAACGGAGAGACCGGAAAAG  
TCACGTGGTTATGGCTTTGTTTCTTATTCAACAAAATCAGAAATGGAAACAGCTCTTGAAGCTC

>trans\_c\_4334 NM\_180553|Arabidopsis thaliana D111/G-patch domain-containing protein  
(AT5G26610) mRNA, complete cds

TCTCCACAAAATTTCCAAATCTTATTCTCTCAAGTGTGTGCCTTAGTGCCCACTGCCGCACGTCGTCCACTGCAG  
CTCCCTCCACCGCCGTAAGTTCTGACTCCGCCCTGTCAACGTGACTCAGTCATAAGTTCTCTTCTTACACGA  
GTTTACATTTCTTTTCTTCTTCTCATGATCTGTCTCACTATCAATCGTGCTTTAGTTCCCAACCCCGCCGCCGGC  
TACGAACCACGAACCATGCCGATGAACCACACCAACAACTAGCAGCTACGAACCACGCCTACCGCTTTGATAT  
TTGAGCTCAATTATTTAATTAACTGTTCCACATTTGCTTGCCAGATTTCTGACGCATGCCGAAGAAAAAATGGA  
GTTTGGGGCTTCTCAGAAGATGGGCTGGAAAGGGAAAGGATTAGGGAAGGACGAGCAAGGAATTATTGAG  
CCAATAAAATCTGGAATGAGAGATCCCAAAGTGAATTGGAAAACAAGAAGAAGATGATTTTTTACCTCAC  
AAGAAAATATCCAGCGGAAAAAGCTTGATGTTGAGGTGGAGGAGACAGAAGAACATGCCAAAAACGGGAG  
ATTTCAAGGAGTTAAGAATAACGATCGGTGAGACCTAAGCTTGAGATTATCTAAGAGTGATGTGGTGCTTGG  
AGGAGGGTGATGTCTCTGTTTCTTATTATTACATATACTTTGTGTTTTATGATTAAGAACGATGATCATAATTCG  
TTTTGTAATGTGAATGATGTTTCTTCTTGTATATATACTTTGTGGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4335 NM\_001059413|Oryza sativa Japonica Group Os04g0441900 (Os04g0441900)  
mRNA, partial cds

ATTGTCTTCTGTATCTACTTGATAACGATACTTCGTGGATGATACTTGCAAGTTCTGGCATTGGTTGCTGCATC  
GAGTTCTGAAAAATAGGAAAAGCTATGCATATTGAGATTGATAGGAGTGGAAGAATACCTAGGTTGAGATTC  
CGTGATCGCGAGTCGTATGCAGGAAATAAGACGAAGGAGTATGATGATCTTGCAATGAAGTATTTGTCCTAT  
GTTCTTTTCTTCTTGTGCTTGCTCATCTGTTTATTCGCTCATGTATGAACAACATAAGAGCTGGTATTCATGG  
ATTCTTCTTCACTTACAAGCTGCGTATACATGTTCCGGCTTATTATGCGTGTAACAGTTGTTTCATAAATTAC  
AAGCTCAAGTCTGTGGCTCATCTACCCTGGAGACAGATGACATACAAGTTCCTTAATACCATCATTGACGACTT  
GTTTGCTTTTGTGCATCAAATGCCTACTCTACACCGACTTTCCGTGTTTCGAGATGATGTCATATTTCTTATCATT  
CTATATCAGAGATGGATTTACCCGGTCGACAGGAAACGTATAAATGAATTTGGTTTTGGCGGTGAAGAAATTC  
AAGAACTGAGACAACAAATCCGAATGCCATAAAAGAAGACGACAAGAAACTAACTAACTGCATAATGTTA  
GGGTTTTTAGAATGTATAATTCAAGTGACTGGGAATCTCAACAGGGATTTAACTTTTAAGATTTTGTCTGA  
TTGCGAGGCTTAAAAGAAAAGGATTTTTTTTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4336 NM\_001054976|Oryza sativa Japonica Group Os02g0805500 (Os02g0805500)  
mRNA, partial cds

ACATCGCTTCGGTTTTAGTAGAACCAACACCAAGTTCCTTACCCAACTATGCTGCCTTTAAACCTTCCTTTTTCTC  
TTCTTCCCTTACCCACATCCTTAATTCTTCCCCAATCGAATTTATTCGTCTGTTCCGTCATCTTCTTCAATAAT  
GGAAGACCAGAAACATGTTGGTCCTTTGATTTCTGGGCCGAAATCACTTCCCAAGAACTCAAAGTCGCCGTT  
GCAGCTGTTTCAAGATGGCTTGCTTTCTTGTGAGAGAGTTCAGAGCAACTTGCTTACTAGCAATGCCCAAATTCA  
AGCCAAGGATGACAATCCCTGTTACTGTTGCTGATTGGAGCGTTCAGGCAATTATCAGCTGGATTCTGTCCA  
AATCTTTTGGGAGTAAAAATGTGTCCATTGTTGCTGAGGAGGATGTTTCAAGCTGCTGCTGA  
CCGGCTTTTGAAGTTGTTGTGGAACTGTAAATGAGTGCTTTGTGAAGCATATCGTTTCGGATTGGAAGGT  
CCAGAATGCACCCTCTGTACTTCCGAGGTTCTGAAGCCATCAGCCGATGCAACTCATCTGGCGGTTCAACTGG



AAGATTTTGGACCCTTGACCCTGTGGATGGCACGTTAGGTTTTATACGTGGGGATCAGTATGCTGTAGCTCTA  
GCATTGATAGAAGATGGAGAAGTGGTGTGGGGTTCTGGGATGTCCAAATTATCCAATGAGAAAAGAATG  
GCTATGTTACCATCCTCGCTACCCATTATTATATCCAATTATCACCTACAACATC

>trans\_c\_4337 FJ065101|Pinus taeda isolate 2103 anonymous locus 0\_18315\_01 genomic  
sequence

TTTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATAAGATGA  
GAAGATCACATCATGATTGAGTAATATTTCAATTACTGAACAACAGAGACTAGGGTACAAAAAATTTATCAA  
CGCTAAGAAAGAAAAAACAGATCTAAAGCCAAGATCTACAATCCTCCATTGATTAATCTACAACCTAACCTC  
CGAAACCATACAAAGTCCTTCCCTGCCTTTTCAAGGCATAAACCACATCCATGGCAGTCACCGTCTTCCTCCTA  
GCGTGCTCAGTGTAAGTCACAGCATCACGAATAACATTCTCGAGGAAGATCTTTAAAACACCTCTGGTTTCTTC  
ATAAATCAAACCGCTGATTGCTTCACACCGCCACGACGAGCCAAACGGCGAATTGCAGGCTTTGTAATACCT  
TGAATGTTATCTCTCAAGACTTTCCGATGACGCTTGGCTCCTCTTTCCCAAACCCCTTACCTCCCTTGCCACGG  
CCAGACATTGTCATAATTTGGAGAATTGAAGAGACTGATAAATAATTCTTTTGGGTGTGATTTAATGATGATA  
ACTGTGCAGAATTGAAGAATGGGGTTTTTGAATAAGTAAGGAATTGGAGGAAGAAAGGAGTGAAGAGATGA  
AGAATATTTTTCTTTTTTGTCTATCCTCTTCTCTCTCTGTTTTTGGGTCTGGGAATTGTGAAAGGAAACA  
GAGATAGAGAGGTTTGTGTGCTTTTCTGAAGGGTAATGGTTCACAAAA

>trans\_c\_4338 Novel Gene

ACATTCTAATACGACCTGCGGTACGATTGCTGCTGCGAACGATAATTCCTCCCACTCGATCAGCGATCAGC  
CTTAGGACACAGGATATGGGGAAACGTAAGTCAAGAGCAAAGCCCCACCTAAGAAGAGAATGGACAAGCT  
TGATACTGTTTTAGCTGTCCCTTCTGCAATCATGGGACCAGTGTGCAATGTGCGATTGATATGAAGAACCTGA  
TTGGGGAGGCCTCCTGTAGGATTTGCCAAGAAAGCTTAGCACAACTATTACAGCCTTGAGTGAGGCAATAGA  
CATATATAGTGAGTGGATCGACGAATGTGAGCGGGTCAACAACCTTGAAGACGATGCTGCCTAGAGGGATCA  
ATTGGGGGAGCATGAAGCTTGGTGTTCCTATGAAAATGAAGCTGGCTAGTTTGAATTTCTTTTACGAACCT  
AAATTAAGAGAGAGGGGGTCTTACTGGTAGGTATAACAACACTGCCGCCCTCCACCCTCCACCCTCATAGCGG  
TATAGAATAGACAAGTATGTATGTACAGTAGTAATGTTGTAACGGCTTGCACTTGACTTTATTACGTATTTTCA  
CGTATGTGTAATTTCTTTTAAAGTTTTTAAATCAAGAATCTTGGAGTTGGTAAAGTTGTGTCGGATGGAGAGT  
GAGTGGTCTGAACCTCCTTTATTATTGAATAATTCAATGCTTAATATAAATGAAATGTTTAAGGATGTTACA  
GAATATTAATGGTTGCTATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4339 Novel Gene

ATCTCAAACCTTGAGCTCTCAAGTCATCCACTCCCCTGGATTTCCCCGGCGACCGGAAAGCGAAGCAGATGAAG  
AGATCATCGAGTGCCTCCATAGTCTCAGATAAGAGATTGCTATATTCGTCGTCGTCGTCGTCCTTTGTCGCAATC  
CGCAATCTTCAGATCTTCGAGTGTGAGTTTCGGCTTGAATCAGAGCCTTACCTGCCAACGTTCAGTCCGTTCT  
CTCACGCTGCCGAGAAGAAACGTCGCCATCTTAAGCTCGCTAAGATTTTCATCCACTCCATCCCTTTCATCATTC  
TCTTTTGCGCCATCGTTCTGTGGTTATTCTCCGATCCAGGTACTGAAATTACTCGAGTGAAAGATGCTCGTAGA  
TCGAGATCGACTATTTGAATATTAAGATGACAAATAGCTAAAGAAAATATATTTTATTAGTAATTGCCGCCTG  
GCTTGTAATATCTTTGTGGATACCAATGGATTATCGATTACACGAACAAGCAGAGTGCTTAAATCATTGGG  
AATCCAGTCTGTAGACCTTGTTGTCGTTATGTATGCGCTTGTTATTTTGATACTGTAAACGATTGATTGACTAGA  
GGGGACAAGGATTGGTGGGGAAGTTGTTGTGAATCTGTGATGGCTTATTGAAAAGTGTGAAAGACTTGAAA  
GTGTATACTGTACTATACAGATTCCAACCTCAAGCTTCATGACTACAAAGCGACTCGGAGTTGGAATTAATTGA  
ACACGATGTTGCTTTGTAGCTAAGAAATTTCAAATGAAAGTGTAATACTATACTCTT

>trans\_c\_4340 EU586193|Malus x domestica cultivar Fuji SKP1-like protein 1 mRNA, complete cds

ATTTTTCACTTTTTGAATCTTTCGAATCGTCGCTTGTCAGTTAGGGTTTCTTCATATCCCCGAATCGGGAACA  
ACCCATCGACCAAATTCTCTCAACACAATGTCGTCCTCTAAGAAGATCGTTCTCAGGAGTTCCGACGGCGAAAC  
CTTTGACGTCGATGAAATCGTCGCAGTCGAGTCTCAGACCATCAAGCACATGATCGAAGACGATTGTGTTGAC  
ACTGTTATTCCCTTGCCTAATGTTACCAGTGCCATTCTTCTAAGGTAGTTGAGTATTGTAAGATGCATGTTGAG  
ACCGATGATAAAGATTCTAAAGTCATTGATGATACTCTCAAAACCTGGGATGCTGAATTTGTTAAGGTTGATCA  
AAATACTCTTTTTGATCTCATCTTGGCTGCTAACTACCTGAACATCAAGAGTCTGCTGGATCTAACATGCCAGA  
CAGTGGCAGATATGATCAAAGGAAAGACACCAGAGGAAATTCGAAAGACATTCAACATCAAGAATGATTTTA  
CTCCAGAGGAGGAAGAGGAGGTTTGAAGGGAGAATCAATGGGCCTTCGAGTAGTAATATAACAGTCATTT  
TTAATTTGATTATATAATAGTAATTAATCAATGTCTTTGTAATGTCTATAAGATTTTAGGGAAGTTAGACTCTTT  
TCATTTCACTTTCTGGGATGCTCTAAGTTGTAAGTCTCTCTCTTTTATCGAAGATCAATATCTAGTTTTTGTGG  
ATTTCATATACTTTCTGTGGAAAGCAATGTCTCAACGTTATCATCTTTAACCTG

>trans\_c\_4341 Novel Gene

ATCTCATCCCTCATCGACCTTCAAATTAACCAACCAACCCAGTGGCTATGGATGTTGTCACTCAAAGAAACTC  
CTCTTCTCCGTTTCCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTTGTTTCGTTCCCATGGCGTATAGGACGGTCGAGGATTT  
CTCCGACCAGTGGTGGGAGCTCATCCAGTCTCCCCCTGGTTCCGTGAGTACTGGCTTCAAGAACGCTTTCAA  
GATCCTCAAATGAACTTCCGTTTGGTGAAAATGAAGAATTCGTCCTTCGGATCTTGAAAAGTTTCTTCGATGA  
CTTCACTCGCCAACGTAAAAACGAAATCCAGTCATCGAATCTGTCTATTGTTTTCTTCTCTTAATCGAGCTT  
ACTAATTCGTTGTTTCTTTGTTTTCTTCTCAGAGGAAGAGGAAGAATTGGAATTCTCGAAAGACTTAGTTCC  
AATGGGAGCTTTCAAATGGCAGAAGGCTCGGTCTGGAGCGGAGGTTTCTAAGTATGCTCAAAAGGCTCCCAA  
GATCGTGAAAGTGAGTCCGAGAACGATTACCAACCGAGATAGATTTTACGCGCCCAATCGAGTAC  
GTTTCTTCATCAGAACTCAAGAACCAGTTTGAATTGTTGTTGATCTAGGGTTTTCCATTTCTTTTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTTTTTTTTTGTATGACAGAGTCTAGAACTTGATCTGTTACATATTAAGTCTGATGAATCTGTGTT  
AGTTCTTGTAATTTGAACCAAGTCTTACTTTCGATTATGATAAATTAAGGG

>trans\_c\_4342 Novel Gene

AATTTTCTCAAAAATCATAACCCTCTTGTCCTTTTTCTCTCTCCAATCCCCAATTCCTTAACCCTAACGCAACCC  
ATAACGCTCGCGCGCTTCAAACCGCCAAATTTCCCTGGGATTTTCATGTGTTTCTGTTCCGTTTCGTGATTTTA  
TTTGTTCGCCGTTGAAGAATCGTATCGATCTTGGTGTTTTCATCTCCCGACGGTGGTTTCCGGGATCTCGATT  
GCTGCTTTGACGAATGGTGCTGTTTTGAGGATCTGATCTCTCGCCGCTGCTGGGTCGATTTTGTAAGATAAG  
ATTTTCTGATTCTGTTAGGTTTTGTTTTCTGATCGGGTTGAAGACTCTCCGTGGTGGTTGCTTGCTTGCTTGC  
TTGCTCTTCTGTGGGGGATTTAAGGGTTTTGTTTATCTCCCTTTTGAGTTATCTGTTCCCTGACGAGCTTCTCG  
ATTAAGGGAATCTCTACTGTTGCTTCTGCGATCTACGGAGCTCCATTGAGATTGAGAGGAGATCTTTATCGTCT  
TTGTGGTTTCGACTGAAATCCATTGAGATTTATTGTACTTTTGCCAGACGAGAATAACGGGAATTTTCAGCGAAC  
GAAGTTTGTAAGCCCTCTTTTTCGCAGTTCGATTTGTTGATCCCGGTTTTGTTGAAGGGAGAAGTGTGTTGA  
TCTTTTGATTGTTTCATTGATTTGTTGAGTTAAATATAAGGCCCTTTTCTGAAGGCCTTTGAACTTTTTTT  
CTTTCTACNAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4343 Novel Gene

AATCAAGAAATTTGGCGGAAGCAGAGCGATCGCCGGTCGGCTCCGTCGCGTCGCCTTCCTCTATCTCAGGGTT  
ATTCTGTATAAATCATTGTATCTTCTTTCTGTTATTTAATCAATCATACTCCGGAATCTTCGCCTTCTACTC  
CTATATTTTACTCTTAAGAATGCTTCTTCCATTCTTTTCTGCTTTGACTATTATCGCCTACCTTCTTTAGATGCAT

TCGAAGTCCTCTCGGCTCGCCATTTCTGATCCTTGAGCTGTTTCCGTTGTTATTCTGATTGTTAATTACTAATG  
GCGATGGCTGCCTTCAAATCCTCGTCAAGAAGAGGAAGTTCGACTTCGTGACGTCTTCTTCGAGCATTGGCG  
CGTCAATATCTGGTCAAGATAGCAAGCAGAGTGGTAGTTCTCCTAAGAAATCTACTATCCGTAGATCACGAAG  
CGTGAGTGCCTTTTCCAGATCTAGCACAGCGGATGTTTCCGGGAGATTTTTCGAATAGTAGAGATAATCCGCTC  
TTCTGGAGTAATGGTTCCTCTCCACTGGAAGAAGCTCGTGCTGTTAACCTTGAATCTGATGGAAGTTCCACCAG  
AATTAATTTAGGAGGTCCGAAACGTGTGAGTTCTGGCGGTGTTGAGAATACGAGGGGACGATCAGTGTGAG  
AAGCTCCGATTCCGGAAGTATAGGTTTCAGGAAGCAGGAAAATCGGTGGCCGAAGCTTGTGAGAGTANGCA  
CTGAGCGGCGGGAACGCTCGGCGTCTGTGACTCGATATTATCCTGTCTCATCGCAG

>trans\_c\_4344 NM\_118060|Arabidopsis thaliana actin binding (AT4G19400) mRNA, complete cds

TCACTTTTCAGCCATTTGACGACTTGCGAGTTCTTTGCTAGAGCTCAGCTCACTCCTTCATTTCCATGGAAGCTT  
AGACGCCTAGTAGGTTTTTCTTAAATGGATTGGGCATTTCGTCCACAAAGCTTGGGACAAATGGGCTTCCGGC  
AGCATTGGCACCTTCGGTCAGCCATTGAAAGCTGCTCTGTTGATTAATTATGACCCAACTGGACCTTCCCGCTT  
GCTTTCAACCATTGCAGAACAAGAAGGAATATTGCTTAATCCCATAGAACTGAATCAGTTTGTGATTTCATCA  
AACGTGACAAACCCCAAAATGAGAGTTTCAGCATTGGCTTAAATCAATGTGCATGAACACTATAAAGCATGCC  
GGTGAAGGTGTTATTATAGTGCAAACAACAGCATTATTTTGATTGCTATGTATGATGGTTCAATTGCAGCAGC  
ATCTCGGGCGATGGCAGCGGCCGATCAGTTATCGTGGGTATTAGCCAGGAAAAATCTCTAGTTGCGTTAAATT  
AAAACCTTGTGTGACAAATCTTTCTTATAGAGAAAAATGACAAGTCCTTGACCCATTGTCTAACTGCTGTAGAA  
AGCACCAGAGTTTTCTACCATGATGCAAAATTTTCTTTAAACAAATTATAAAAAATATAGGACTGCTACGAG  
TGTTATCTAATATAATTTTCAAATGTAAATAGGATCAAAGTTGTAGTGTGGATGTCTATGTAATACTTTCCTT  
TTTGGGATTTGAATTTTATTGATTGTGATTCAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4345 HM122683|Malus x domestica SCL domain class transcription factor (SCL9) mRNA,  
complete cds

GTCAGAAATGGCCCGACACTTGCCCTTCTGACTCTTAAATACCCTAAAATATTCCCAATCCGTGTTTCATATTTCA  
CCAAAGTTTCCACCGATTCTTTCTGGGTCTTTTCAATTTCTCATCTTCTCTCAAACCCCTTTCAATTTTATGGATAAT  
CTCCTCGACGATTTTCCCAATTCTTGAATAATACTTATCCCTTCCATCCCCATCTTTCTACTTCTCTGTTTCAGAG  
TCACTCGTGATGTCGTTGATCCCTTCAGATTCCGGCCAAATCACATCAACATCAACATCAACACCGCCAACTT  
ACTAACAATTCTCCTCCTCCCCCTCCTCTCCAGCTCCGAAGGAGATTCTCCCGATAGTCATGACACCTCTAAC  
ACCATGCTCAAATACATCACCGAGATGTTGATGGATGAAGGTGAAGATCTCAAACACAGCCCTGTATGCTTC  
TTGACTGTTTGGCTCTTCAAGCTGCTGAGAAATCTTTTATGATGTTCTTGGTCAGAAGTATCCCCCTTCTCCAA  
TCGGTGATTCTTCTGCTGTGATAGAGGTTTAGGACGCGAAGATGAATCTGAGTCTTTTAATGGCCAGTTGATT  
TTTCTTGGGTTGCTGCCGAGAACGATGGTAGATCCAGCCTTGAAAATGGGTTGTTAAGAGAAAAAGAAAAACC  
GTTTGAGGGAAGATAGTGATGAGGAGTTGAGAAGTAGTAAACAATCTGCTAATTTTGCTGATGATAATCACT  
GTCTGACTTGTTTGATGAGGTTCTTCTTGTGCTGGCGAGAGTCGGCAGT

>trans\_c\_4346 XM\_002870958|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family  
protein, mRNA

GTCTCATTCAAGCCTTTTCCAACAACATCACTTCCCCTTCTTTCTTTTCAATCCCACTGAATTTTATGCCACAC  
TCTCTATTCTCTTCCACGTCTCCGGCGACGCCATTCTACTTCTCTGCCAGTTGGATCTGCGGACGCTATGAC  
TTCCGCACTGCCGCCCTTATACTACTAGTCATCTCTGGAGTAGGAGCTTCTACCGCGAGCCGGACAATT  
TTGGAGATCAAGCTACGGAGTTTCTTAAAGCGGCTGGAGAGATGGCTCTGGAGTTCGGGAAAGGGTGTAGG  
GATATTGTGGTGACAGTTTTGGTGATAATGAATCTTATCTTGTGAAGACGTTTGGGAAGGGATCGCTCATTG  
AGAAAAGAGTGAGAGGACCTTGAGAGAAGGTTTTTGGTAAATTGCGATTCTTCAATGAGTATTTGCCTGAGG

>trans\_c\_4347 NM\_128769|Arabidopsis thaliana lactoylglutathione lyase family protein / glyoxalase I family protein (AT2G32090) mRNA, complete cds

>trans\_c\_4348 AB014760|Cucumis sativus mRNA for cystein proteinase inhibitor, complete cds

>trans c 4349 D83227|Populus nigra gene for extensin like protein, complete cds

[illegible]

>trans c 4353 BT029757|Arabidopsis thaliana At4g24460 mRNA, complete cds

CATGGAATCAAATTGCGGGCTGTGTTATTGTAAGTCTGGTTTAGCAGTTGCTGTTGGAAGTGGTTCTGATGC  
AGGCCAAATGCTGTCTGGAGTTGCACCTTTATGGCCAGTATTAATGGTAGTTTCTAGTGCTTGTCAAGCTGCTG  
CATCGATTATGAAGGAGTTTATTTTCGTTGATGCTGCAACCCGCTCCGGGGGAAGTCACTAGACATTTTTGTG  
GTCAATTCTTTTGGATCTGGATTTTCAAGCACTTTTGTACTTCTCTTTCTGCCGTTTCTTTGAACTTGAAAGGCA  
TACCCATAGCCCCAACTCCCTCATATCTGATGCATGGTGTCTGGTTGTTTTCTCAATGTTGGTGCCAGAAGACCA  
GGTTGCGAAGGGGCTCCATTGCTTCCTCTGCTTTACGTGATCACAATTTGTCCTTCAACATAACTGTGCTCAA  
CGTAGTGAAGAAATTTTCTGCAGTTGTGCTTCCCTCGTTGTGATGCTTTCAAGTCCAGTTTCAATTTATATTCT  
ATCACTTCCATTGCCATTTCTACCTGAAGGCGCAAGCTTAAGCCCCCTCTTCTCACTGGGAGTTCAATGCTTGT  
ATTGGGTCTTGTCTTTTATTACATTCCACTGCCTTCAAAGAGAGAGGCCAAAAGTATTGATGTTACCACCAAA  
CTGGCTCAGCTTGGCTCGTGGCATTGCGATGGTGGCTCGACTCCACTCATTTTATAATTTAGAAATTGTAAAAA  
TTAGGCCAGAATACCATTTTGCATAAGAAAATTTTCACTATTATTTAAA

>trans\_c\_4354 NM\_105982|Arabidopsis thaliana nascent polypeptide-associated complex (NAC)  
domain-containing protein (AT1G73230) mRNA, complete cds

ATGGAGGGAAAGGGCGTATTAATCTGTTAGCGCCGTCCGGGAGTTAGCTTTCTTCCCCGAGCCTCGGTCTTA  
TCCCCTAACTCCAAAACCTAGCCCAAAGATGGATCAGGAGAGGCTTAGAAAGATTGCCAGTGCCGTCCGCAC  
TGGTGGAAGGGTACCATGAGACGAAAGAAGAAGGCAGTTTATAAGACTACCACAAGTATGACAAAAGGC  
TCCAGAGTACCTTAAAGAGAATTGGGGTGAATGCCATTCCTGCTATTGAGGAGGTCAACATTTTCAAGGATGA  
TGTGGTCATCCAATTCAACAACCCAAAGGTTCAAGCATCTATTGCTGCAAACACGTGGGTCTAGTGGTTCTC  
CTCAAACAAAGAAATTGCAGGATATCTTGCCTGGTATCATCAATCAATTGGGTCCAGATAACTTGGACAACCT  
GCGTAAATTGGCTGAACAGTTTAAACAGCAAGTACCTGGAGCGGGTGGTATGCAAAGAATGCACAAGAGG  
AGGATGACGATGTTCCAGAACTTGTGAGGGCGAGACTTTTGAAGCTCCCGCAGAAAGAAAATCGTTCTTCTTA  
GATAGATCCTTTTGAAGAGAGGAGTGTGTTTTATGCCGTTTATACTTCTAGAGTTGCTTCAGACAAGTT  
TTTATGATTTGATAATTCTTAATCTTATCATAATTTAACTTGTCTCTTTATGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAATGTTNCATGCCCTGCTACTTTAAATCTTCCGTCGTCCCTTTCATCCCTCGGTGTACACA

>trans\_c\_4355 NM\_129486|Arabidopsis thaliana PGP1 (PHOSPHATIDYLGLYCEROLPHOSPHATE  
SYNTHASE 1); CDP-alcohol phosphatidyltransferase/ CDP-diacylglycerol-glycerol-3-phosphate >  
(PGP1) mRNA, complete cds

AATTCCAATTCGTCCGAAAAACGAGGAGGGGTTTTCGGGTCAGGATCAGGTTCTGATTCTGTTTCTCTCCATC  
TGCCGGCTCTGAATTTGTGGCTGATATGGGTTCTGAGAGCAAGGATCATAACAATGTCTGGTTCCAAAATAAC  
TTCCATAACCAGACTCCGTCGCCATTAACGCACCAACATGAACCACAACGTTCCAAATTACTCACATTGCCAC  
CATTTTGACGCTTGCCCGGTGGTTGCTGTTCCGATATTTGTTTGCACCTTCTACGTTGACAACTGGTGGGGAA  
CGACTGCGACAAGTAGTATATTTATTGCTGCAGCAGTTACAGATTGGCTTATATTGCTCGAAAGATG  
AGGTTAGGTTCTGCTTTTGGTGCGTTTCTTGATCCAGTAGCTGATAAGCTTATGGTTGCTGCCACGCTGATCTT  
ACTCTGCACACAACCTTTAGAGGTTTCTGTGTTTGGTCACATTCCTTGGCTTCTGACTCTACCTTCAATACCAAT  
TATTGGCAGGGAGATAACCATGTCTGCAGTTAGAGAATGGGCTGCTTCCACAATAGTAAGCTTTTAGAGGCT  
GTGGCCGTAAATAACTTGGGTAAGTGGAAAACAGCGCACACAGATGATTGCGCTGACCACCCTTCTGGCTAG  
TCGAGACAGCAGTCTTGGAGGATCTGGAATTGTAGTAGCAACTGGCGTCGTCTTGTGTACATATCAGCTTGG  
CTTGCTGTGTGGTCACTATTTGTTTATTCTCGTAAAATATCAAAGTGTGCTTCGCT

>trans\_c\_4356 XM\_002877796|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRPB13.6, mRNA

TTCTTCTTCTCCTTCGTTCTTTTCAAGAAGGCAGCTTTCTTCTTCCATTACTGCAAAACCCAGAGCTCAAAGAG  
CAGCTTCACAAAGGACACCGAAAGCCATGAATGCCCCGACAGATACGAGCGCTTCGTCGTCCAGAGGGCA

CCAAAAAGGTCTCATACGAGAGAGACACGAAGATCATTAAATGCGGCGTCGTTTACCATTGAAAGAGAGGAAC  
ATACAATTGGAAACATCTTGCGCATGCAGCTGCACAGAGATGAAAATGTGTTGTTTGTGGATATAAGCTTCC  
TCATCCTTTGCAGTATAAAATTATCGTCCGGATCCATACCACTAGCCAATCGTCGCCGATGCAAGCATATAATC  
AAGCCATCAACGATTTGGACAAGGAGCTTGATCATTTGAAAAATGCATTTGAGGCTGAGTTGCGTAAGCTCTC  
AAGGGACTACTGATTTGGTTTTGAAAAGTTTGGTGGAGCTCAATACAAAATGCAGGTACAGGACAATGAGTT  
ACTGACATGAAATGGATTTCCGAGAACTTTGTTTGTCTCTTTAAGGCTGCTGAAACCATCTTGTAACCTGCTCA  
ACTTTTGTGTATGACAATGCATCTAAATTATTTTTTTTTTGTCTCAGCACACTTCATGTTTGTGTTAGTAGATA  
TCCTTTGAAAGTTTCAGTTTGATCGGTGACTTGCTCAAATTTATTAATATTACATTTTGATGGGTGTTAGATC  
TCCAATATATCAAGCAGGTGATTTTTTTTTCTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4357 AF118113|Lycopersicon esculentum MFP1 attachment factor 1 (MAF1) mRNA,  
complete cds

CTTCCCCTTTCTTCTTATTTCCATTTCCATTTCCATCTCCAAATCTCCTTTCCTCCAACCCACCTCTTCCTATTCA  
CCCAAATGTCTGACCCTCAGATCGCCGCCGGCACCCCCACCGAACGATTCTCCACCCCTCCGACGGATTCC  
CCAAGTTGGAGATCAGGCTAAGGAATCAACCAAATCACCCAAATCTTCAACACCTCCTTCAGCATTGCGCTC  
CTTCCCAACGCACCCGTGACGCTGTCGTCAAACGCCTCATCGAGACCCTCTCCAACCTTCGGTTCTCTCCAAG  
CGCTATGGCACTGTACCCCAAGAAGAGGCCGCCGAAGCGGCTCGTCTTATAGAGGAAGAAGCCTATTCTTTCCG  
CCGCTGGTAAAGCCAGTGCCGACGACGATGGGATCGAGATCCTTCAACTCTATTCTAGGGAGATCAGCAAGC  
GTACGCTCGAGACTGTCAAGGCCAGAGCGGCATCTGATTCTACAGCTGAAAACGGTTCGTACCTCCTGTTGT  
ATCGACCACCACTAACGAGGAAACCCCATCTGTTGAACAATCCTAATTCGTCTAGGACTTTGTTCTCGTAGAAT  
GTGAATTAGGTTTTCAGAATGGTTCTTGAGGGTTTCTTCTACGGATATCTGTTTGTATTGCTTATGAATCTCTGA  
TGCTTACATGAGAATTATTACCTTTTAATTTGAACGTCTAGGTCCTCCGCCCCCTTATATCTTGACTCGTTTTGTG  
CTTTTCTGTCTATTTTATATATTCTTACAATCTAAAATTGCGTTTTTCAT

>trans\_c\_4358 XM\_002871645|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata structural maintenance of  
chromosomes family protein, mRNA

AAAGTTTTAGTCGCAATTTTCAAGAGATGGCTGTTGCTGGAGAAGTGTTACTGGATGAGCATGATATGGACTT  
TGATCAATTTGGAATACTTATTAAGTGAAGTTCAGACAATCAGGTCAGCTTCAGGTTCTCAGTGACATCATC  
AATCTGGAGGGGAACGATCTGTGTCAACAATTCTGTATCTCGTTTCCCTTCAAGACCTTACCAACTGCCATTT  
AGAGTAGTTGACGAGATAAACCAAGGAATGGATCCATAAATGAACGGAAGATGTTCCAGCAATTAGTGAGA  
GCTGCCAGTCAAACCAATACACCACAGTGTTTCCTATTGACTCCAAAGTTACTTCCAGAACTGGAATATAGTGA  
GGCCTGTACTATACTGAATATAATGAATGGTCCTTGGATCGAGCAGCCCTCAAGAGCATGGAGCAATGGAGA  
TAGCTGGGGAACGTTGATGAACTACGTAGGGAAAAGCCGATGTTGATTGTCATTAGCGGATTTCTGTGCTGA  
GGAAGGCAATGTTGATTAGAGTTCTTTCTATGAAGGTTGCCATGTTCTCACATCAAATAGCTGCTAGTCCCTC  
AACGATTGTGATTGAGTTTATGCTTTTATTTTGTATAGTTGAACCATTAAATTCTTTGTAAAGTTATCTATCATA  
TCATTTTTCTATCGGAGTACTGATGAATTAATTAATAATTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4359 XM\_002880100|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thylakoid lumenal 15 kDa protein,  
chloroplast, mRNA

ACTTTACACATTTAAAGTTGATCTATACGGTCTTGTACTTCAATAGCTTGCCATATAATTTGAGCGTCAATCAC  
AGAGCAAGGTCTCTCGAGTTGCATTTCCAGTAGTTGGGTTTACCCCATCTGCAACTTTGCAAAGGTATTTCCAC  
TGATCCTCTCTCAATGGAACGTCAGTGAAATCAGCTCCGTTTATTGTTGAACCACGGAAAGAGGTATTTCCCGT  
GGCCAGTGACCTTCAAGGTTGGCATTGGTTAAATTTGCCTTGGTAACATTGGCAAGAGAAAAATCTGCACCT

CTGAGATCAGCATCTGAAAGATCCGCCCTGTAAATCAGCATCAAAGAAGCTAGCACCTAATAACTTGGCAC  
CTTTAAATTAGCTTGCCGTAAATAGACGTTTTGAAGTCTTGCTTGATTAAGGTCTTCCCACTGAAATCTTTCC  
CGGAGAGATCCTGACCTCTAGTGACCCAGCTCCGTAAGGACCTCCGCCATAAAAGCTAGGGCAGGATCGG  
CGAGGAACAAAGAGGCAGAAATGAAAACGAGAAAAGTGGGTTGTCCAAGGGAAAGAACCAAATTCCTTGTA  
GCTTCAAGTTGTTGGTTGAATACCTGAGAAGTAGAATGGGGGCCGGGGGAAATGGAGGGAGGAAGAAGAA  
GGTGAGATCTTGAATGGATTTTGGGAGTGGAACAACATAATGAAGCGTTGAGCAGAGCCATTTCCGGAAAGC  
CGAAATTCAAAATTTTGTTCGAATAGGAATTGGATAACGTCACCTCCGACCGCAACCGCATT

>trans\_c\_4360 U01964|Glycine max cv. Dare photosystem II type I chlorophyll a/b-binding protein  
(lhcb1\*7) gene, complete cds

GCATGAATAAGACTTGGGTTTCCAAGATAGTCTAGGCCACCCGCACTTACGAGGACTTACTTCCTTTGAGTTGA  
AGTTGGTAGGCAATGGCAGCCATGGCTCTTTCATCTACATTCACAGGAAAAGTTGTTCTTTGAATGCACCTAC  
CGAGCTCTCATCCTCGGTTTGAAGCAACGGTAGAATCTCAATGAGGAAATCCGGAAAGCCAGCAGCTTCCTCA  
GGCAGCCCATGGTATGGTCCCGACCGTGTCAAGTACCTTGACCGTTCTCTGGTGAGCCTCCATCTTACCTCAA  
AGGTGAATCCCTGGTGACTATGGTTGGGACACTGCAGGTCTATCAGCTGACCCAGAGACATTTGCCAAGAAC  
CGAGAGCTCGAAGTGATTCACAGTAGATGGGCCATGCTTGGGGCTCTAGGATGTGTATCCCTGAGCTTCTTT  
CAAGAAATGGAGTCAACTTTGGTGAAGCAGTTTGGTTCAAGGCTGGTTCACAAATCTTTAGTGAGGGTGGCCT  
AGACTATCTTGGAAACCCAAGTCTTATTCATGCACAGAGCATTTTGGCAATTTGGGCATCTCAAGTAGTGTTAA  
TGGGTGCTGTTGAAGGTTACCGTATTGCCGGAGGACCACTTGAGAGATTACCGATCCCATCTACCCAGGTGG  
TAGCTTTGATCCCTTGGGTTGGCTGATGATCCAGAGGCATTTGCAGAACTTAAGGTGAAAGAAGCTTAAGAAT  
GGTCGTCTTGCAATGTTTTCCATGTTTGGGTTTTTCGTACAGGCCATTGTAACAGGAAA

>trans\_c\_4361 Novel Gene

AATTCTCTTCTCCATCAACCAATCTCACATTATTCTCTGTTTGTTCCTTCATTTCCACAAGTTATTGGAGAAGAAG  
ATGAAACAATTACGCGTTATCGTCGAAGAAGCTTTTGTGTATGATGAAGAGAAACATCTCACTGTTATGAAAA  
CTTCTCTCTTCTTGTGCTGGCGATGGCTATACTGTCTACGATTGCAAAGGCGAGCTCGTTTTTCAGAGTCGATTCTT  
ACGGTCCGGATGCGCGTGAGAAGGATGAAATCGTTCTCATGGATGCCCAAGGCAAGTGTTTACTACTGTTCG  
TCGGAAGAGGCCGAGTCTACATCACCGATGGGAAGGATACTTAGGGGAGAGAACAGAAGGACAGAAGCCAA  
TCTTCAACATGAGACGTTTCATCAATAATCGGACGGTCAAGCATGACGGTGGAAGTGTTGAAGGATTCCGGCG  
ATGAGTACCATATCGAGGGGTGTTTCGGTAATCGGCATTGCACGATCTTCGATGCGGCGAAGGAACCAATGG  
CTGAGATTAAACGCAAAGTAGATGCTTCTACTAACGTGGTGCTTGGGAAAGACGTTTTCTCTCTCATAATCAAG  
CCGGGATTCGATGGTGCCTTCGCCATGGGTTTAGTGCTCGTTCTTGATCAGATCAACGGTGACACTTTTGACG  
ATGACGGTAGTGAAATGGATCCCACGGCAGATGATTAGTCCCTTCGATTCTTTTGAAGTTCTCTTTTGTAGAA  
TAATTTTGTCCGTTGATTAGGAAAGCCCGTAGGGGCCAATGCATATCATATGGGTTCTTT

>trans\_c\_4362 NM\_179152|Arabidopsis thaliana ASP5 (ASPARTATE AMINOTRANSFERASE 5); L-  
aspartate:2-oxoglutarate aminotransferase (ASP5) mRNA, complete cds

TCCTCCGTCTTGTTCTCTCTGTAAACTCCAATCGCCATCGTCACTGATCTCATTTCCATCGAGATGGCTTCTTCTG  
TCCTCCCTCTTGCTCCGCCTCCCTTCTTCTGCTTCACGTTCTCACTTGAGAACAATAAGAAGAAGTTGAACC  
TTGGAAGTAACTCTCTAAGCTTTGATCTTGACAAAAACCATCCATTCGCGAAGGCGAAGTCCTTCAGCAGGAT  
ATCTATGGTTGCTTCGGTTAATGTCTCTCGGTTTGAAGGGATTACGATGGCTCCTCCCGATCCAATCTTGAG  
TTTCTGAGGCTTTCAAAGCAGACACACACGGAAACAACTCAACTTGGGAGTTGGTGCATACCGCACGGAAG  
AGCTGCAACCTTATGTGCTTGATGTTGTGAAGAAGGTTGAGTCACTTATGCTGGAGAGGGGAGATAACAAAG  
AGTATCTCCCAATTGAAGGTCTGGCAGCGTTTAATAAGGCAACTGCAGAGTTATTATTTGGAGCCAATAACCC



CGTCATTAAGCAGCAACGTGTTGCGACTATTCAAGGTTTGTGCGGGGACTGGTTCTCTCAGACTAGCTGCCGCG  
CTTATAGAACGATACTTTCTGGTGCAAAAGTCCTTATATCTTCTCCAACCTTGGGGGAATCATAAAAATATTTTC  
AATGATGCAAGGGTCCATGGTCTGAGTATCGATATTATGACCCTAAACAGTTGGTTTGGATTTTGAGGGGA  
TGATATCTGATATTAAGGCAGCACCTGAAGGATCTTTTGTGCTGCTTCATGGTTGTG

>trans\_c\_4363 DQ226613|Boechera divaricarpa isolate SLW-3-G03 mRNA sequence

ATTCTCCCGAAGCGACTGGCTCGTTACCACTGAGAAGCGTGATCAAGAGGAAGAGACGAGAGTTTTCCGACT  
ATGTTCTGCGAGCGATCGGACGGCCATTATTGGCCAAAGTGAAGCAAACGACGGGGATCGTCGGTCTGGAT  
GTTGTTCCCAACGCCCAGAGAGTCTTGATCGGCCTTTACAGTAAAACCTAAAGGAGATCCAGGCCGTTCCCG  
AGGACGAAGGATACCGTAAGGCGGTTGAGAGCTTCACGCGGCACCGTTTGAAGGTATGCCAGGAGGAAGAA  
GACTGGGAGAATATCGAGAAGCGGCTTGGCTGTGGTCAGGTCGAGGAGCTAATCGAGGAGGCCCAGGACGA  
GCTCAAACCTATTGCTAAAATGATCGAGTGGGATCCCTGGGGTGTTCCTGATGACTACGAATGTGAAGTGATC  
GAGAATGATGCTCCAGTACCGAAACACGTTCCCTTGCACCGACCAGGCCCTCTCCCTGAAGAGTTTTACAAGA  
CGCTGGAGGCCATTAGTGGTGATAGTACTAGAAAAGTAGAGACAACCGAGAAAGCATCTCAGGTGACAGAAT  
GACCTCATTTTTATCATTTGAAGGATTCGAGTTTCGGGATTGAAAGCCGTTCTCTGTTTTTGGCTTTGATGTTAT  
CTAATTATGTTTGTTCCTCGATAGAGTGCCTGTATGCAGGAATGATTATTCACAAAGTCGTGTTTCAATAATCTT  
TATCCAATGCTGGAATTACATAAGTTCACCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4364 Novel Gene

ACGTGGATCCGGAGTATTACAGTGTTATCAGCTTACAACCAAGAGTGATGTTTATAGTTTTGGCGTCGTATTA  
ATCGAACTTATATCGTCAATGCCAGCTGTTGATATAACAAGGCATCGACATGAGATTAACTTGCTAACTTAGC  
TGTGAACAAAATTCTAAGACAGGAAATTGACGAGCTAGTTGATCCATGCCTTGGGTATCAATCGGATGAAAA  
GTCAGACGGATGATAATGGGAGTGGCCTGGCTAGCTTTTCTATGTCTGCAGCAAGACAAGGAAAGAAGACCT  
ACAATGGAAGAAGCCTTAGAACTTTGAAGAGGATTGAGAATGGGGAAGAAAGTGAGAATTTGCTAGATAA  
TAGTGCATTGCTGAAGAGCTATGATCCAACCTCTTCTCCAGAGTATGATGAGATTCAATTGTTGAAGAACAAA  
ACGCAGCAGTTGTTGTCCCCTACTTCTGTTGCTGATAAATGGATAAGCTCAACTTCATTTGTTAGTGCTTCACT  
TCAATATCATCTAAGTCCTAATTTTTTTTTTTCTTTTCTTTTTCAGTTTAATGTTAGAAGTTCATATTATTAGTGTA  
GGAAACAAATAAATCACTTCCCTCCTTATATGCATATATTTAACACAAAATTACTATGTATCTGTGAGTGGCTTT  
TTTGTAACATACATTCAGGGTAGGGAATGTAAATAAGAATGATTGAAAACCATTCGGCTGTAGAAATCAA  
TGTTCATACACTTTTTCTTTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4365 XM\_002876163|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-glucuronic acid decarboxylase  
1 (UXS1), mRNA

CAATGGACTGGTGGCACTCATGGAAGGTGAACATGTAGGACCTTTCAACTTGGGTAATCCAGGAGAGTTTAC  
CATGCTGGAGCTGGCCCAGGTTGTCAAAGAACTATAGATCCAAGTGCAACAATAGAGTTTAGACCAAATACT  
GCCGATGATCCTCACAAAGAGAAAACCTGATATTAGCAAAGCAAAGTCATTACTCAACTGGGAACCCAAAATCT  
CACTAAGAGAAGGACTGCCTCTCATGGTGAGTGACTTCCAGAAACGCATTTTGAATGAACACGAAGGTAAAG  
GTTACTGATGAAGAAAATTACAAGGAATGAAACAAGTATGTATAGTGAGAAGCAATTGAATCTAGTTGATTCA  
TTCATTCAATTGTCAAATATCCTCTAAATTCATCTTCATCCCACTATAGGAACATATAAAGATTTTTTGATCTTGA  
TCACAAAGCGTGAGTGCCACACCACTATTTATTTCTGTTCTTTTCAAATGCGTTTTATCCATTAGATCGTGCTGC  
TGGTGAAACGGTCTTTAGGCCACATTTTTGTTTCTTGACCCAGCATATGATTAGGCTACCTGAAGTTTGGT  
TGTTAGAAACAGCCCAATCTGTTTGTATGGGCTTTCAGTGTCTCTTTATCTCTGGGCTTGTCATTTTGCTTGC  
CCCATTAACATACATATATGTATCCATGCAATAAACATCACATTACATATATTGTATTTGTCAATATGAATGAT  
ATGATGGTGTGGGATTGTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4366 AJ012693|Cicer arietinum mRNA for plantacyanin

ATTATTTCCATCAACATAATTCACCACATTAGTCTCTCTTTTAAAATCTTTAGCCCTTTGTTATATTTTTGTTTGAC  
AAAACCTAGAGAAGAAGATGGGTGAGGGAAGAGGCAGTGCAATGGTGTGTGTTGTGATGGTTTGTGTGTTGTT  
GATGCTTCAATACTCTCAGATGGCTCATGCTGCAGTTTATACTGTTGGAGGTGCTCAAGGCTGGACCTTTAATG  
TTGCCTCTTGGCCTAAGGGGAAGCGTTTTTCGCGCCGGCGATACACTCGTATTCAACTACAGCCCATCAGCACA  
CAATGTGGTGGGTGTGAACAGATTGGGTTACAGTAGGTGCACCACTCCAAGAGGTTCCAAAGTTTTTCAAACA  
GGAAAAGATCAAATCAAGCTTGTGAAGGGACAAAATTTCTTCATTGTCAGTCTCCCTGGCCATTGTCAAGGTG  
GAATGAAGATTGCCGTTAATGCAATTTAATAAAATATCCCTATATTTACCATCTAATCTAAGAGTTTGTCTATT  
TTTTTGGATCAAATTTTAATTATGATTAAGTTTATAAATTACTATTGCTTAATCATATTAAGTTTGGTTTATGATT  
TAGACAACTCTCATCATCGAATAAGACTGAGTACTCTTTTCTAATTTAAAGTGTGTGCTAATTAGTTTGCTTTG  
AGTTTTAGTTTGTGTTGTGAGGATGTTTTGCTTCACATGTACCGTATGGAATAAAATTAATACATCAACTATTA  
TTACTTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4367 NM\_112490|Arabidopsis thaliana isochorismatase hydrolase family protein  
(AT3G16190) mRNA, complete cds

ACAAAATTTTCATCTCTTTTTTTCTTTCAGCTTCCTTTAGCTATGGCGGATCAATGGAAACGCACTGCTCTTCTTG  
TTATCGACATGCAGAGAGATTTTCATTGACGAACACTCCGTCTTCGCTGTACCAGGAGCCTCCACTATAATCCCA  
AGCGTCTCCACCGCTGTCGAAATCGCAAGGAATCGTGGGTTGTTTCATCATTGGGTTGTTGAGAACATGACG  
GTGAAGGACGAGATGTTGAACGATTTGCGCGCCATTACTATGGGAATGGGAAGCCGAATCCTCTTGTGAAG  
GAAGCAAAGGGGCGGAGTTAGTACAAGGGCTTGAGATTAAAGAAGGAGAATATAAAGTGGTTAAACTAGG  
TTTAGTGCCTTTTTTAATACTAATTTACGTTCTCTTCTTCAAGGGGCGGGTATTACTGATTTGGTTGTCTGTGGT  
GTTCAAACCCCAAACCTGTATCAGACAGACTGTTTATGATGCTGTAGCTTTGGATTACCATCTATCACTCTTCTT  
TATGACGCTACTGCAGCTGCGACTCCCAAAGCTCATCATGATAATATCACTGACATGGTGAACGTGGGAGTTG  
AGGTGAAGAGAGTTGATGAATGGGGGGGAGTCTGATTCTGAGGCTTGAACCTAACCCAATTCCAGTTGTTATA  
CAATCTTCGTGTTGCTGGTGATTTTCATTTACTGCAATGAATCCATGGTGTTTGATGTTTCAGCCATGCTTCTGT  
GTTTCTTTTGGTCCACCGTTTAACGACATTCATATCGAAATAATCTTTACCTCTCCC

>trans\_c\_4368 Novel Gene

AAAACACGACTTGGCCCAAACAAAATCTCATCTTGTTCTTCTTCTTGTCTCTCTCCCTCTCTCGCTCTTCTC  
CTTCTTCTGGTGTGGCCATCCTCTTTCTTCCCTTCTTCGATTCTTCGTTTACTGGCAAACCAACTTCTCCCTCCTC  
CCAATCTCTCGTATTCATGTGCGAGAAGGGTCAGCCATTACCGAAGTTTGGTGAATGGGATGTTAATAATCC  
TGCTTCCGCAGAGGGCTTACCGTGATATTTAATAAGGCAAGAGATGAGAAGAAAACCGGTGGCCAACTGA  
ATCACCCGGAAAGGCACCTCAGGCCAAAAATGTAGCAGATCCTGGCAAACCTCAGGCTAAGAAATGGTTCTG  
CTGCATTACAGAGCCCGCCTACACAATCTTGATGGTATTACCTTTCTGTAGATAACCACCGTATTGTGCTAAGAT  
CGTCATTACTGGTTTTCGATAGAATATGAGATTTTTAAAGCTGCGATCAGCTTGCTATACTATTTGCTTCATAGT  
CTGAGTCATGGAGGAAAAAAGTAGAAGAATTTACGTTTTTTATTTGTGGTGCTGATGTGGTTAATTAGCTGA  
GCTATGCTATATCCATTTGTCTCTGCTCCCTTTTTGTCCCTTTTTTGTGTCTTTTTAAATGCATTTTGTTCTTAT  
ATCTGATATTGAATCTATATTATTGTTTGTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4369 XM\_002320356|Populus trichocarpa glutathione peroxidase (PtrcGpx4), mRNA

AAGAAAGGGAAGAGAAAGAAAATGGGTGCTTCTCAATCAGTCTCTGAGAAGTCCATTCATGAATTCGTGGTG  
AAGGATGCCAGAGGACAAGACGTGGACCTTAGTATCTACCGGGGAAAGGTTCTTCTTGTGGTAAATGTTGCTT

CAAAATGTGGTTACACAGATTCTAATTATACCCAACTGACGGAACCTTTACACCAAATACAAAGAAAAAGGGTT  
AGAGATCTTGGCTTTTCCTTGCAATCAGTTTTTGAATCAGGAACCTGGATCCAGCCAAGACGCACAGGAATTT  
GCCTGTACAAGATTCAAAGCCGAGTATCCAATATTCCAAAAGGTAAATGTGAACGGGCCTGATACGGCACCC  
GTCTATAAATTTCTTAAAGCTAGTAAACTGGATTCTTGGGTACTAGAATAAAGTGGAAATTTCACTAAGTTCTT  
AGTTGACAAAGAAGGCCATGCCATCAAACGCTATGGCACAACCACTACTCCCCTGGCAATTGAGGCCGATATC  
AAGGAAGCACTTGGAGAAGTTTAAGGGGGTGAGCCTGTAATGTACCGGAACTAAGCTTATATAGTCTCTTCAC  
CTAGAGACATTATTAAGCAAGATTTGGGTGTATTTATAAATTGAACTGATCATGTATGGATTATTTGACTGAC  
TTCAGCTCGATCAAATTAAGCCCAACGCCGTATCCCTCCTGTGTATTATTTATCAACAATTGTGACAATGGAAG  
AATAACGAAAATTATAAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4370 AF144706|Pinus taeda small zinc finger-like protein (TIM13) mRNA, complete cds

AAGAATGTTGTAAAATACTTTGCTATTACATCGTCATAGGGATTTAGCAGCGGGGTTTTGCCTTCTCCTATCAA  
CTACTGATCAGATTCATCAAACCCATAAAAAACCCAGAGCTTCGTTTTTGAAAATTTGCTTTGGCATTTCATTTTG  
AATTTCAATGGCTTCTCCGAACAATATGCCATCGGCTGTCGACAAGGAACAGATATTTGGTATGGCAGAAAAG  
GAGATGGAATATCGAGTTGAATTGTTCAACAAGCTTACACAATCATGTTTCAACAAATGTGTTGATAAGAGGT  
ATAAGGAATCTGAGCTGAATATGGGTGAAAATAGTTGTATTGACCGCTGCGTCTCCAAGTACTGGCATGTAAC  
CAATTTGATCGGCCAGCTACTCGGGTCTGGTAGACCTCCAATGTGAGCTGATTCATGATTTGTATAATTGTCAG  
TGAGTTGGGAATGAAGAACTTTTGGTTTAAGCATTTTTGGTCTGATTAGTTCTCCATTTTATGAAATAATTTAGT  
TTTTCTGTCCGAGAAAGCATTGATAATGACACATTCCTTGTCATTTTATAGTTTTTCAATTCACCATTAACATGA  
ATTTAAATTTCTAGAAAATATTCGATTGGGTCTCTATACCCTTTCTTTTATTAGTTCTCAAGATCCTACTGGCTA  
TGCTTTGCCTCTTGAATATCTTCCTTGCCAATTCCTTGATTTTAATGGCTGAAGAGGAATGTTAAATAAAGTATT  
GTAGACTTCTGTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4371 HM004360|Glycine max SGF14e mRNA, complete cds

ACTCCCTCGCCTTTTACATTTCTCCCTTCAATTCTCGTCTCTCCAGTGTGTTCTCTACTATTTCGACCGCCGAGAG  
GGAGAGAGAGACGCAGGTCTACATGGCCAAGCTTGCAGAACAGGCCGAACGCTACGACGAAATGGTGGAGT  
GTATGAAGAAAGTGGCTAAACTAGATGTTGAGCTAACAGCGGAAGAGAGAAACTTGCTATCTGTTGGATACA  
AAAATGTTATAGGTGCTAGGCGTGCTTCTTGCGCATCATGTCCTCAATTGAACACAAGGAAGAGTCCAAAAG  
CAATGATAACAATGTTAAACTCATTAAAGAGTTACCGTCAGAAGGTAGAGGAGGAGCTTTCCAAGATCTGTATC  
GATATTCTGACTATTATTGACAAGCACCTCATTCTTCTTCAACCTCTTCAGAAGCATCGGTTTTCTACTACAAG  
ATGAAAGGTGATTATTACCGATACCTTGCTGAGTTCAAAACAGATCAAGAAAGAAAGGAGGCAGCAGACCAG  
TCATTGAAGGGATATGAGACTGCTGCCAGCACCGCAAATACCGAACTTCCATCAACCCACCCAATCCGTCTTG  
GCCTTGCTCTCAACTTTTTCTGTCTTCTACTATGAGATTATGAATTCCCCTGACAGGGCTTGCCACTTAGCTAAAC  
AAGCTTTTGACGAGGCAATTGCTGAATTGGATACTTTGAGTGAAGAATCATACAAGGACAGTACCCTCATAAT  
GCAGTTGCTGAGAGATAACCTCACTCTCTGGACATCTGATCTACCAGAAGATGGAGGTG

>trans\_c\_4372 XM\_002313454|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC113),  
mRNA

ACACAATATATGTAATCAATCTCTAATTAACAGATGAAAAAGAAAATGGATCATGAGGCAATTCGTGAAGAAG  
AAGAAGAAGAAGATCAGATTCTACCGGGGTTCCGATTCTTCCGACGGAAGAAGAATTGGTACTGTTCTATTT  
GCACAACCAACTTCAGGGGTGGCGTAAGGATATCCACCGTGTGATTCCGGTGGTTGACATTTACGAGATCGA  
ACCATTC AATCTCTCAAGGTATT CAGGAGAAAGGTGTAGGAGGGACAGTGAGCAATGGTTTTTCTTTGTGAAG  
CAACAAGAGCGAGAAGCGAGAGGAGGGAGAGCAAATAGAACAACGTCGTCGGGCTCTGGGTATTGGAAGG  
CGACGGGGTCTCCGACTTACGTGTACTCGTCGGAGAATCGGGTGATTGGAGTTAAGAAAACGATGGTGT

ATAGAGGAAAAGCTCCGACGGGAACTAAGACTAAGTGGAATGAATGAATATAAAGCCATTCAAGACATTA  
TTCCTCCTCATTACCCTTCCTCTTCTACTCCCATTCCTCAGTTACGACATGAGTTCAGTTTGTGTCGAGTTTATGT  
GGTGTCAAGGAAGTTTTCGAGCATTTGATCGACGGCCATTAGAAGTTTACAATCGATCAGTACTATAAAACAAG  
ATCATATATACACACGACAACCTTTCTCTTACATTTGGATTATCTCATGAATCCAAGATGGTTGATCATTTTTTTT  
TTTCTATTTTGTGATAATAATAATGACAATACCCAATACATCCATTTTTCTCATTTGGTTTT

>trans\_c\_4373 AY395738|Nicotiana tabacum ribosomal protein L3A (RPL3A) mRNA, complete cds

TACTCCTTGTTTCAGCGTAATACGGTTTCTTTGAGAAGCAAGTTCAGTAGAAGCTGTTTTCCAGAAAGATGAGA  
TGATTGACCTTATTGGTGTGACCAAGGGTAAAGGTTATGAAGGTGTTGTCACCTCGTTGGGGTGTACACGTCT  
CCCCGTAAGACTCACAGGGGTCTTAGGAAGGTGGCTTGATTGGTGCATGGCATCCTGCTAGGGTGTCTTC  
ACTGTTGCGAGAGCTGGTCAGAATGGTTACCACCACCGAACTGAAATGAACAAAAAGATTACAAAATTGGA  
AAGACGGGGCAGGAATCGCATACTGCTATCACTGAATTTGACAGGACCGAGAAGGACATTACTCCCATGGGT  
GGTTTCCCTCACTACGGTATAGTGAAGAGCGACTACTTGATGATTAAGGGAGGTTGTGTTGGACCAAGAAG  
AGGGTCATCACCTTCGTCAGTCACTTCTCAAAACAACTTCTCGTGTGGCTCTTGAGGAGATCAAACTTAAGTT  
CATCGATACATCCTCTAAGTTTGGCCATGGACGCTTCCAGACAACTCAGGAGAAACAGAAGTTCTTTGGTCGC  
CTCAAGGCCTAGGTTAACTGCCTTCCTTATCCATGGTTGTTTGTGGCTCCCATCACCCCTGAATTTTTGTTA  
TCTATTTCTGTTATTTTGAAGTATTTTGAAGTATTTTGTAACTTAAATTTGAAGTTGATAGTTTACT  
ATTAATGAGACTTAATTTACCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4374 EU714076|Thellungiella halophila ST103-2 mRNA, complete cds

TCTCTACCACATTTAGGCTCCAGATCTTTCCTTTGCCAATCTCTCCCTAACTTCATCGCTTCACCTCTATTTTC  
ATCGTAATCGATTTCTTGGGTGTGATTCTGTGAGTTCATTGCAGTTAGAAGATGGCAGCAAATACATAGTAG  
GTTCTTTACTTGAGCAACTGCAGTTGCATATATCGGTGACCATCTTATTTCTGACAAGAAAATATTCGAGGA  
ACAACTCCGAGTACTGTTTCAAACAGTGAGTGGTGGGAAGAACTGACAAAAAATCCAAGCATGGCCTCGT  
ACAGCTGGTCCACCTGTGGTCATGAACCCCATCAGTCGCCAAAATTTATTGTCAAAGCCGCGACTCTTAAAT  
GTTACTTGGGTGTCAACCTTTTTTGTGGAAATACTTCTAGTCATTAAGCAGTTCTAATCTGCTTTTTATTTTGA  
GCGGTGAAATTTGAAAGATTTGTTGTTGTTGTTGTGATAGGCATTCTTATTTCTGGTGTGAGGATGTTTATT  
CTAAATAAATCAGCGAAAAAAGAACTTCCCCTCATGTCTCTTTAAAAAATAATGAATGATTATTGTTTTT  
ATTTATACTTTGATTTATGGGATCTGGTCATCTGATTGTTTGTAAACCGGACAAAAAATAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAN

>trans\_c\_4375 BT010912|Arabidopsis thaliana At1g48200 gene, complete cds

CTTGTCAAAAACGACGAACCTGAAAAACCTCCTCAGCCTCAAGGTTCCCGGAGCTTCGTTGCAGAATGGATT  
TGGCCTCCAAATTCCTTCGTATTTTATCCAATGACAACAACAAGAACCCCTTATCAACGTCTGTTAGTCTTTT  
CCTTCGCGGCACTGAGCGCAAGGTCAATCAAGCAGGAGAGACAAATTGAAGCTCTGGAGGCCGAGAAAAATT  
CACTTCTCGATTCCAATAAAGCGTTGAAGAAAACCATGTGGGATTGGAAGCAACAGCTATTGCGCGAAGCCTC  
AACCAATCTGCTTTAGTCCCTCTTGCCAGGATCAAAGCTATCTATGGCGAAGCTCCATTTCCCTTCCGGAG  
CAGTAAATGCCGCAACTGAAGATGCAACTTCACGAAGCTCCAACTTATGGTTTAATGTTAGGTTCACTCTAGT  
TTCTTAGGTTTTGTTTCTTTGTTTACAAATTGGCTGAAGAATCAAACCTCATTAAAGATTGCATATTTCTATGCTC  
GAGGCTAAACAAAAAGTAGTGACAGGATATAAAGAATTAGATTTTTCTGTTTACGCACGAATGTATTCTTATCA  
ACTTCGAAGTCAGAGATCTTATCCCTCCTCCACATTCTCAAAGGAAATCAAAGGAAAAAAGAAAAATGT  
CTTTTATGTTTGCCTAATCCTCTAGAATAAAACAGCAATTGTAGTCAAAATCTCCATGATGACAAAGCATCATT  
TACAACCTTTTGCAACTACTTCAAATAGGTCAAAGTGTGGTTTTCTGCTCTG

>trans\_c\_4376 NM\_001062713|Oryza sativa Japonica Group Os05g0540000 (Os05g0540000)  
mRNA, complete cds

AAAACCGGTTTAACTTGCACCCTTCAATAAAAACTCGACCTGTTTTGCAGCTTGACGACCACATCATGATGACT  
TGAGATGATGTTGAACGTGGTTTTAGGGGATGGCGTCAGCACCTGATCGCATTGTGGGATTCTATCCCCGGC  
TTGTCAATGGAAATCCTCTGCACCACACAGCCGAAAAATATGCCGATCTCATAAAGGGTACAACATGATTCTT  
ACAGGTGCAGCTTTCATTGATAGTCAATTAGCTTCCAAAGGTACTGGAGTGCAGCTGCTAAGCCAGGCAGGG  
ATTTGGTTGATAAGATTTTAAATTGTGAAGATGTTTTATTGAATTTCTCTACGCCAATGCAAGCTCAACTCAA  
CAGTAGAATACGTGAGACCTGCGTGGGCAATCGACACATCGAAGTTCTCCGGTGCCGCTATCAGCAAAAATA  
CCCAAGTTCATATCAGCTAAGAAGTGAATGTCTCAACAAGTTTTAGAGTTGTATGCAAAATTTGGGGGATCG  
GAAATGGGGATTTCGATGGGCGCAAAGATGGTTGGGATTATAACCGACGAAACAGTATCTCCCAAAGAATAG  
GTCTATAACTTATGTTTGACATTGCTGGTCCTTCTCTCGCGTCGTTTTAGTGAAGTTCCAGTGTTGAGGCTC  
CTCCCCCTGTGAATTTAGTTGGGGAGTTGGATATCTATAGTTTCAGTCAGTGAGCTGTACATTGCTTTGTCAT  
GGATTGTTTTGCTTGTTTCGAAAACCGATTCCACTTGNGGTGTGCCAAATGGCTGT

>trans\_c\_4377 Novel Gene

TCTTTTGTTAAAGTAGATAAAATAATCATAATATATTGTTATTAACCAATATCGACTCTCAAAGTTTTGTT  
CATCATTTATGCTTTTGGGGTTTGAATAAAAGAAATTGTTAGGGGGTGGGGTTCTTCTTGAACCTAGGGAG  
TGAAGTGTGCTGGACCTTTCGCTCGCCTGCCTTCTCTGCTTCGTCGCGCCTATTGCAATTTGCGAGCGAACATG  
CAGGCCAGCGATAGATTTAACATCAATTCCAGCTTGAGCACCTTCAGGCTAAATATGTGGGAACCGGGCATG  
CCGACTTAAACAGATTTGAGTGGGCAGTGAACATTCAGCGTGATAGCTATGCATCTTATGTTGGACATTACCC  
CATTCTAGCGTACTTTGCTGTAGCAGAAAATGAATCTATTGGGAGGGAACGCTATAACTTTATGCAGAAAATG  
TTACTACCCTGCGGCCTTCTCCAGAAAGAGAAGATGATTGAGATTGTTATCATTAAAGTAATTTAAGTTGTAGT  
TAAGATTGCGAATGATTAGACATTATAGGGTTAATGAATTTCTTCTTTATGAACCAACGATGTGTTTGTATGGT  
AGGAAGTGTACGATTCATTTTTCCATGTTCCGGTTATGTAAGGTTTACGCATTCCAGGTACTATTTCTCGACC  
TCGTCCTTTTTGTTATAAGAACAAGGTCCATCTCATTATAGTTTATAAAATTGTTTGTAAGTATAATTACATAT  
AATAGCTGTTGGCCTGAAATAATTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4378 NM\_125598|Arabidopsis thaliana OXA1; P-P-bond-hydrolysis-driven protein  
transmembrane transporter (OXA1) mRNA, complete cds

TACTCGCCACGCACCGATACCGGCCTCCTCCCTTCTCTACTTCAGTCTTTGCGATCGCCGGCGAGCTCACCGTC  
AGCTGAAAAGCAAGATAGCAATCTGAGAAAATTAATCAATTGCATGACTTCACCCTAGACAAGTATCAATGGC  
TTACCGGCGCAGCCTTTCGACAAGAGGGAATCTTATAGCTCGACAATATCATCCATCGATTAGTGTCTTTGGTC  
AAACCGATGACCGTAAAAAACAGCATTTGGATGAAGATTGATTTCCACGACAGAATCAATAGTTTCCTGCA  
GAGGAGATCATTTGGAACCAGCTTTAATAAGTCGTCCAGGTCTAATTTTTTTGATATTGATAGAAAATATCCAA  
ACACTTTCATCTCGCCTAGCGCTGGTTCCTTTTTCTGTCGCTACATGTCAAGTACCATTGGTGAAGGGTCTGAA  
AACATTGAATTCATGAGTAATGTTGCAGAAGTTCTCACAGATACAACAGTTCAATCAGCTGCATCTCAGGCTGC  
TGCTGCTAATGAAGTAGCCCTTGCTGCTGCTGATTCTTTCCCCCTGTCAAGGGTGTGCAGTACTTTATAGATG  
CTATTATTCTTTTACTGGATTAAATTGGTGGGCTTGCAATTGATTAACAACCCTATTGATTCGTGGTGAACAT  
TCCCTCTTTTGATAAATCAACTCAAATCTACTGCCAAGCTTACTTTGTTAAGGCCTCACTTGGAGGAAGTTAAG  
AAAGAGATGCAAGAAAAGGGTACGGATCCAAGGGCGGTTGCTGAGGGTCAAC

>trans\_c\_4379 AF053769|Malus x domestica homeodomain protein (Mdh1) mRNA, complete cds

AACACAAAACAATGCCATTACAAATCCACAAAATCCAACCACCGCAGCCGTGGAAGAAGTAGCAGCGGAGTT  
CGCGGCGGGGCATGACTACTCCGATTTGCATGATGTGTGGCGACACGGAAGTAGTGGATCAGATCATCATCA  
ACAACATTATGGGACCATGTCTGAGGATGTTACTGCGGCGGCTGACATGAATCCTGGACCAACACTTATACGA  
TTTGGGACCACGAACACGGCCACCGGTGACGTGTCCCTCACGTTAGGCCTCCGCCATGCCGGAACACCTCCG  
CCGCCGCTGCCGTGGATAATCCTTCTTTCTCTCTACGTGACTTTGGTCAGTCTTAAGGAAGAAATTAATTATTAT  
TATTATTAATACTTTCCACATTATAAAATCAACCCTTTTTCTTTTTGGTTTTATAGAAAATTAATTAATGTATC  
ATGGTTGAATGATCTCAATGTACGTATGTAGCTGCATTTTGTGTAATTAGGGCTTTCCAATTTGTGGGGTTGAT  
TAAATTATTGTTAATTGTATAGTAGGGTTTTCTTTTTCTTTCTTTTCTAAGTATCTTTTTTTTTCCCTCTCTGAT  
CTCTCTTTCTAGGGCTGGTAAAATGTGAGTGTAAATTTGTGGAATTGAAATATGATTATTTTGATAATCATTTTT  
CTAAGTAAGAAAGAAGTACTCTAAGATAAGGTATTATATGAATGTGTCTGTCTATTACACTATCCTTTTGAGCT  
CTATGAAATGCAATAGTATTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4380 AF347666|Glycine max translation initiation factor IF1 (infA) mRNA, complete cds;  
nuclear gene for chloroplast product

AAAATCAATTCGGAGCAAACATGTCGAGCACAAATCTCCTCCAATTCCTCTCCTTCAATCCCACTTCGCCCCAC  
CGTCCACTCTTCTTTTTCCCCCGTCAAAATCCCATCTCTCCGTTGTCTCAATCTCTTTCCCCACCTCCCAATTCCTC  
CATACCCCTTCCACGCTCCTCCAGGCTTCGCTCTCATGGCCAAGTCTCAAAAAACGACACCTCCGAGCAGAA  
ATTGAGCCATGAAGGATCCGTCGTCGAGCCTCTTCCAATGGGATGTTCAAGGGTTCGATTGGATAATGAAGAC  
CTCATTTTAGGCTACATATCCGGTAAGATTCGGAAGAATTTGTTTCGTATTTACCTGGTGATAGGGTTAGGGT  
TGAAGTTAGTCGTTATGATTCTACCAAAGGTGCAATTGTTTATAGACTTCGAAGTAGTGGTAAAGACTCATCTT  
CATGAATACTAGTTTTGGATCATTATTATTACTGTTGTTTTGTTGTTTCTTTTTGCCTTAATGTGTTGATT  
TTGTGACATAGTGTGTACATTGATCCCTCTTTTTGTTTTGCCTTTTTTAGAACGTAAAATGACAAACATTTAGTT  
TATTTGAGCTCCTTTGGCTTAGTGATTTGTATTTGTGGATGAATCACTAGGAGTATTAGAGCTTGTGAATTTAT  
GTCTTGCTTGTAATTCCTTGGAATAAAGAAAGAGGAGTTTCTAAATGATCCTAACCTATCAATTTAAGATTTT  
GGATTGATGCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4381 EU827608|Hevea brasiliensis protein phosphatase 2C (PP2C) mRNA, complete cds

ACCCTGACTGCTGGCTTAGATGGTATGCAGCTACAATATAAGGAATGTGATTGCTCAGGCTGGACATATAGGA  
ATAATCAATAGAAGGATCCAAATCAATAATATCTGGAGGAGTTTGCCTTCCAATCTTGATTGTTCACACCTG  
GAAGCGTGAATATAGAATAAGTCTCATGATGATGGTAGATACAGGTGCATCTGAGAACCGTAGGCCGATTGT  
TGATAAGCATCCAGAGAAAGATGAAGATGGTGGCTATACAAGTGGAGGATGGAAAAGTGAAGATGGGAGAC  
TTAGTTGGGGGTATTCAAGTTTCAGAGGAAAGAGGGCAACCATGGAAGATTTCTTGATATTAATAATGTCGAA  
GGTCGATGGTCAAACGTGTTGCCTTTTTGGCATCTTGATGGTCATGGTGGGTCCCGAGCTGCAGAGTTTTGA  
AGGACCATCTCTTGAGAATCTAATGAAGCACCCAAAATTTTGACGGATACCAAATGGCTATCAGTGAGAC  
GTATCAGCAGACAGATGCTGAATTTTTAAATTCGGAAGAGGATACTTTAAGGGACGATGGCTCTACTGCTTCA  
ACCGCTTTGCTGGTTGGCAATCATCTCTATGTTGCCAATGTTGGAGATTCACGTACTATTATATCAAAGGGAGG  
TGAAGCGATCCCTCTTCTGAGGACCATAAACCAAACAGAACTGACGAGCGGAGGAGAATTGAAAATGCTGG  
GGGGTGTGTCATGTGGGCTGGCACTTGAGAGTAGGAGGAGTGTTAGCAATGTCCCGTGCT

>trans\_c\_4382 AB196794|Glycine max Gm crt-1 mRNA for calreticulin-1, complete cds

AACTTCGCCATTTGTTTTCTCTTTCCCAACTCTCTCTAGCTTTCTAAGCTTGAAGCCATGGCGTTTAGGGTTC  
GGAACCCTAATTTACTTTCTTGATCCTTCTATCTCTCCTTGCTATCGCTTCGGCTAAGGTGTTTTTCGAGGAGC  
GTTTTGATGATGGATGGGACAAGAGATGGGTAAATCCGACTGGAAAAGAGACGAAAAGTTTAGCGGGAGAA  
TGGAACCTACACCTCTGAAAATGGCACGGAGATGCCAATGACAAAGGTATCCAACTAGCGAAGACTATAGA

TTCTACGCTATTTTCGGCCGAGTTCCTGAATTCAGCAACAAAGACAACATTCTTGTTTTCCAATTTTCCGTCAAG  
CACGAACAGAAGCTTGATTGTGGAGGTGGATACATGAAGTTGCTTAGTGGTGACGTTGATCAGAAAAATTC  
GGTGGTGAAACTCCTTACAGCATCATGTTTGGCCCAGATATCTGTGGCTACAGTACCAAGAAAGTGCATGCTA  
TTCTCACCTATAATAACACTAACCCTTGATCAAGAAGGAAGTTCCTGTGAAACTGACCAACTCACTCATGTT  
TACACCTTCATCATTCGTCTGATGCCACTTACAGCATCCTCATCGACAATGTAGAGAAGCAAACAGGTAGTTT  
GTACAGTGACTGGAGCCTCCTTCTCCAAAGAAGATCAAGGATCCTGAAGCCAAGAAGCCTGCGGATTGGGA  
TGACAAAGAGTACATTCCTGATCCAGAAGATAAGAAGCCAGAGTGATATGATGACAT

>trans\_c\_4383 DQ028770|Glycine max NAC domain protein NAC2 (NAC2) mRNA, complete cds

CACGAGTACCGGCTCGCTGATGTGGACCGCTCGGCTCGCAAGAAGAATAGTCTAAGGCTTGACGATTGGGTA  
CTATGTGCGCATATACAACAAGAAGGGGGCAATCGAGAAACAGCACCCGCCGGAGATGAGCACGATTGGATTG  
TTTGAAAATGAGGAACAAGAGGAAAAGCCGGAAATCTGAATGACAGAGCAATTTCTGGGCGAATCCCGTCG  
GCATCTCCTTTGCAAGGTCCGCCATCGTCTGGCGTAGTTAACGATTACGTGTACTTCGACCCGTCAGATTCAAT  
TCCTCGTCTTCATGCGGACTCGAGCTGCTCGGAGCACGTGGTGTCTGTCGGAGTTCACGAGTGAAGTACAGAG  
CGAGCCTAGATTGAAAGAAGAGTACTGTGGATTAGGATTCCAGTATAATTACATGGACAGTTCATTGGACAAC  
GCATTCTGTGCTCAATTTCTACGTTAAATCAGATGTGCGCATTGCAGGATATGTTTATGTACAAGCCATTTTGA  
ATTTGAATTGGACATGTCATGTCAGGAATTGAGTTGATGGAATTGTACGGTGGCTCGAGACGACGGTGGTCTG  
ATGACTGCGCCGTGGGATAATTTGCAATCGCAATAAGAAAAATCTGGTCTGGCGGGGATTGAAAATTTAGCG  
ATGAGCGATTTTAGCACGTGTGTTGTGCGATTGTACATAGCGTGTCAAACGTGCCAGTTAATGGAAAAAACGTT  
TTAAATATTGTTAAATATGCGATTTGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4384 EU056813|Limonium bicolor thioredoxin mRNA, complete cds

TTCTTGCCCTAGTTTTATCCATCTCCAAAATGGCACTCGATAACTGTATACAATTGAGCACCGCCGCCACCATGT  
GCGCCGCTGCTTCCATACCCAAATCTCACTATTTCTTCAACAGCCAATTTCCCTCAAAAATTATCCTTCTCCAC  
GCTCTCCCTTCAACGCCTTAACAAATCCCCACTCCACTTTCAGAAAACCCTTCTCCGTCACGTGCCAAGCTCG  
TGGAGCCGTCGACGACGTGAAAGAAGTAACAGAATCGAGTTGGAATAATTTGGTGGTGGAGAATCAAAAAG  
CTGTTTTGGTTGAATTTTGGGCTCCATGGTGTGGACCTTGTAAGATAATTGAGCCAGTGATTAAGGAATTGGC  
AGCAGAATATGCTGGGAAGATTGAGTGTGTTGAAGCTTAATACGGATGTTAGTCCAAATGTGGCTTCCAAATAT  
GGGATTAGAAGTATTCCTACGTTCTGTTTTTAAGAATGGAGAGAAGAGAGAAAGTGTTATTGGGGCTGTG  
CCTAAATCTACTTTGGCTGCCTCCATTGATAAGTATATTGAGGTTTGATTTTCAAGAATCCCTTATTATCCATTTG  
CACCACATACTCTTTCTTCCAATCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTGTATTTGTATATCATCTTGTGTTAAATGG  
GAAAACTTTTGTCCATCTCTTCTTAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4385 NM\_123343|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein-related (AT5G39800)  
mRNA, complete cds

ACCACTGGCTTTCGCTCTCTCTTTTCTTATTCTCCGCTGCCGCCGTAGGTTACCTGTTTCATCTCTTACCTTCAG  
CGGGTTTAAATTCCACCGCCGTGGGATAACTCCGACCGCCGCTTAACCCCGCGAAGACACACGGACCAACCCG  
TCTGACAGATAACCTAGCCGAATAAATTTCTTAAAGGTTCTTTTATTGTTCTTTTGTGTTGATTTAGGCGATA  
AACTTGAGAAATGGCGTTGGGACTAATATTGGGACTCGGAAGAGTAATGCGGAGGAAGCGTACATCTTCTCT  
CGACATTCTTTCATCTAAACGAGCTCCACGAGATTACTACAAGGGCAAGAATTGCAAGCCTACTGGTTTTTATA  
CACGCAAAGGTGGATATGTGGTGGTGCCAGAGAACTGCCTAACTATGTGTCCTGATTTGTCTGATTTCAA  
GCTCAAGCCTTATGTATCTCAATGCCCCATAGAAGCTTAATACAAGTGACAACACTGAATCAGCCAAATCATAAG  
CGAAGAGGTAAATATGAGACGATGTTGGTGTGTCATCGAAGGGACTTGAAGCAAAAGACCTAGAATTCTTT

TACTAGTTGTTGTTAGCTAGTTCAGGCTCTATTTGTTTGGTCTTGAATTGAAAACTTGTTTCGAAGAACAAAT  
AATCGAGGAGGAAAAACAAAGACAGGACGTTTGGAGATTGAAGTTTTGGAAGTTGTGTTGGTTTTAAATTT  
GACAAGTTTTAAGATTATCGTGCCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4386 Novel Gene

TGTCCGTCTCACATCCAATGGCTCATCTGTTCTATACCTAAATGGCAGAAAGAAGGTTTGAGAATGCATCTGTA  
GTAGAAAGCTTCAAGCTTTATGATCATTAACTGGCCATTTTCTTTCTTTCTCTCTCGCTTCTAAATGGTAGC  
TAACCATATCCATTTGTTGATGTTGATATCTGAATTCTTATTCGCCACCCATTAAGATTCTAATTCACGAAATTT  
TACGTATAGGATCATTTTTTTTATGGTGAAATTTGAGGATTTCTATGAAAATTGTGTATTGGGTATATGTATTA  
GCAAGGACAATGATATATTTTTTTGCCATTTAACTTTATAGCACTGGTACTGAGGCTCCTTGAGTATAACCGTA  
TTTTTGGTGCCTAATCTCGATGTGCTACAATAAAAAGGGATCCGCTTGCAGCTTAAGCTTCTAATTGTATTGCG  
TGCCTGTAATGCCCTTACATTACTAATGGCATTAAATATATCTTCCAATCTTTTATTCTGCCCGTTTGATTAT  
TTAGATTTTCAAGTTAATGTTGTGACATCTCTGAAGCTTCTAATTAATTTTTTTAGGTTTGCAGTTCAGGGGATCT  
TAAGCCATTGTTTCTTGTGTTGAATCCAAGGGCTGTCAAGTGTTCCTGATACTTATTTGGGTCATACTGTACTTT  
TGTAAGGAAAGTTTATACCAATTCTTCTTATTTGAAAGCACTGTATCGTATCAAGAGTGATCACCACAGATT  
TGATATCTCATGACTGTAAATAAATACCAGCCTTTCCAAAGT

>trans\_c\_4387 EF194053|Populus tremula x Populus tremuloides xyloglucan  
endotransglycosylase/hydrolase precursor XTH-3 mRNA, complete cds

CAATCTGTACGGAAACGGAAGCACGAACCGAGGGCGGGAGGAGCGATACCGGCTTTGGTTCGACCCGACCA  
AGGAGTTTCACCGATACAGCATTCTTTGGACCGCCAATAATATTATATTTACATAGATGAAGTTCCGATTAGA  
GAAGTGGTGAGAAATGAAGCAATGGGTGGAGATTACCTTCAAAGCCAATGTCTTTATACGCCACAATTTGG  
GATGCTAGCAATTGGGCAACATCAGGTGGCAAATACAAAGTCAACTACAAATATGCACCTTTGTTTCTGAATT  
CAAAGACCTTGTTTTGGAAGGCTGCCCTTCCGATCCCATCCAGGAGGTTCTAGAACCCTCCGACTGCTCCGACA  
CCATCGCCCGCTCAATGCCAAGACTTCGCCACCATAACACCCGAGCGCCGTGCTGCCATGCGCAACTTTGCGC  
CAACATTATATGTACTATTCACTGTTACGATACACTCCGATACTCAGTCCCACCTCCGGAATGTGTATCATC  
CCAACCGAGCAACGGCGTTTCAAGGACTCTGGACGGTTGAAGTTCGGTGGCAGCCACCGCCGTCGCTCGAGG  
CGGCGCAACAGAAACCCTAGTGTTTCATTGAATAACCAATCTAGTATGTAATAAAGTGTGTGTGTGTCTTCA  
CAGATTATAGAGATGAAGTAAAAAGGTATTCTTTATTTGTTTTGTGAACCTTTGTGTATTTATGTTGTGTTCAAT  
AATGCAATAATATAAATCTATTCGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4388 NM\_103731|Arabidopsis thaliana ribosomal protein L18 family protein (AT1G48350)  
mRNA, complete cds

AAAAACCATCGCGCAAAGTGGATAAGGCAACCCCACTCAACTACAAAACACTATCAAATCCCCAAGAAGAA  
GGAGACGAGAGAAGCAGGGCGACAATGGCTTCAACCACTGCTCCATGTTTCGTTCTTGGGCACTTCCTTTCTAA  
GCGTATCTTATTCACAGAACATTCTCAACCGTCCCCACCTTCATTTCCGGCACTACTTCAAGTTCGGGCCGTC  
ACTCTCTTGTGTCGAAGCCAAGGCTACGACCAGACGAGAGGACCGTGCAGCTCGCCATTCTCGCATTAGGAA  
GAAGGTTGAAGGAACAACGGAGAGGCCAAGGTTATCTGTTTTCCGTTTGAATAAGCATTTGTATGTACAGGTT  
ATCGATGACTCCAAGATGCATACGCTTGCGGCAGTTTCTACAATGCAGAAATCAATCTCTGAGGGGTTAGACT  
ACAGTGCTGGCCCTACCATCGAAGTGGCAAAGAAAGTAGGGGAAGCGATTGCAAAATCTTGTTTGGAGAAAG  
GAATAACAAAAGTTGCATTCGATCGCGGTGGATATCCGTACCATGGACGAGTAGAAGCACTTGCTGATGCGG  
CTCGTGAACATGGCCTTCAATTCTGAGAATCCTTGTGTGTGTTTTTTTTCATATCTTTTAGCTTGGTATTCTGTAAC  
AGTGCCATCATTTGAGATTATTTTTCTGTTGATTAGACGAGAGTTATAGTCGTTTGACCTGAAATTAAGAGGGA  
AATTGTTTATTGATTCATCTTTCTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_4389 NM\_112496|Arabidopsis thaliana NDF4 (NDH-DEPENDENT CYCLIC ELECTRON FLOW 1); electron carrier/ iron-sulfur cluster binding (NDF4) mRNA, complete cds

AAACACTTCATTTCTTCAACCTTCAATTCCCCAAAATGGAGACTCTCCATCTGGGTTCATACCATTTATCATCTTC  
ATCCTCCTTTTCGTTCCCTTCAACTACATTACGAATTCCTCCCACACCCTTAAACGCTTTTCGCTCTCTTACTTTCCGTA  
GAACCCAAGTCAGAGCTGTTGGCACTGTTTCCCAGAGTCAATCTGAAGCCACTGACCCTGAGGAGCCTCCGAT  
TGTGGATTTGGCTTTCTGTTAATTCTGTGTTGCTTCTGATGGAAGTCCAGATGTGCACTTTCGTCGAGCTTGTG  
GCGGGCAAAGCTTAGAAACATAATGTTGGATTCTAATATTGACTTGTATGGACCTTATTCGAGATTTCTGTTG  
AACTGTGCTGGTGGAGGAACCTGTGGGACTTGTATGGTGGAGATTGTTGAAGGGAAAGAGCTACTGAATCCT  
CGTACAGACATAGAGAAAGACAACTCAAAAGGAAACCTAAAACTGGAGACTAGCTTGTCAAACCACTGTG  
GGGAAACCAGATTCCAGAGGGATGCTTGTGTTCAACAGTTGCCTGAGTGGAAAGCTCATGAATGGGGCTAT  
GAAGAAGTAGATCTTTCAGAGTTATCTGAGTCTGCATAATTTAACTCTTCTACTCTTTTTTGACCTATCGGAGTC  
AGCTGTGAAGATTGAGCTATGGATATTAATACTCATCCACTTTGGAGCCTACAAAGACAAGCTCCCTGCCTCA  
GTATCATCAATGTAATTATTCCTTGTCTATATTCAACAGATCCATTCTTTTG

>trans\_c\_4390 X68054|A.thaliana mRNA for calmodulin like protein

TCCTCAAAACAAATTTCCAATTCCAAAACCCCAAATCACATTCAAATTTTCATTTCCCCCAATATGAAGCTTCTCA  
AATCCTTCAACCCCAACCGTCTCTTCTCTTCCAAGTCCCACCGCTCCAACTCTCCCGATCTCAACCTCCTTCTTT  
CGGCTCCGCTCCTCTCCACCTCCTCCGCCGGAACCCCCACCAGCGTCTTGCCGTCCCTCGACTGGGCGGATT  
TCTCCGACCCCACTCTCTCTCGTAAAGAACTGAAGGCTCTACTCGGCCTAATCGGAGCCGAACCGCCGAGTGA  
GGAAGAGATTAAGATCATGATGGGCGAAATGGACCGGGTTGGACCGGCTTGCCACTCCGAGTTACGTGATAC  
GTTTGAGATATTCGACGCCGACCACGACGGGAGAATTACGGCGGAGGAGCTCTTTAGTGTGTTACGGCGAT  
GGGAGACGAGGGGTGCACGTTAGAGGATTGCCGGCGTATGATAGCAGGTGTAGACAAAAATGGAGATGGG  
TTCGTCTGCTTCGACGACTTTGCGCGTATGATGGACTGCCAGAGATAATCCAATCAACACCTTTCATTTTTTTTT  
TCTTTTAACTCTTTTACTTATTAATTATAATAATAATTTTGAAGAAAGAAAAGGGAAAAAAGAAAAAAGAA  
AGAAGAAGAAGGGATCTTTGTGTTTATGTTTGTGATGCAAAGTATATAATTAATTAATAAAGGCGAGTAAGTC  
GTGGGATCGGTCATTCGCCAAATTCATCCCTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4391 NM\_120865|Arabidopsis thaliana AtGUS2 (Arabidopsis thaliana glucuronidase 2);  
beta-glucuronidase (AtGUS2) mRNA, complete cds

TGGGGGTCACTATGGTCTACTCAACACATCCACACTTGTGCCAAATCCAGATTTTTACAGTGCTCTTCTGTGGC  
ATCGACTAATGGGGAAAATTGTTCTTCTATCGGTACTGATGCTTCATCGTATTTACGATCTTACGCTCATTGTT  
CAAAAGACAATACCGGTGTGACTGTACTTCTGATCAATTTGAGCAACCAGACACAATTCTCAATCCATGTCCAA  
AACAGCAAAAATGTGTTCTGAATGTCCAGGAAAATGGGGTCAAGGAGAGAAAAATCCCTCCTGAAAGGCATG  
AAGAAGACTGTAGCATGGATTGGCAACAAGGTCTCTGATGCAACAGTTTCAAGAGAAGAATCCCACTTGACTC  
CAAAAGATGGCTACCTACAAAGCCAAACCATGGTTCTAAATGGAACCTTTGGAGCTCACAGCTGATGGAGA  
CATTCCAAATTTAAATCCTATCCTCCGAGACGTCAACACGCCGATCTATATGGATCCATTGTCCATTGCTTTTGT  
AGTATTTCCCAACTTTGACGCACCAGCTTGCTCGTGATTACAAATGTTACTTTGTTTCATGTTTTTGCAGCGCAAC  
TGTAAGTTTATCGAAGCTGCATAACTTACGAATAAGTGTTTAATATCATCAACAAGTTATTGTTTCATAATG  
ATTAATTGAAAAGATGTATGATAAGGCGTGGTCAACAGGCTGTGAAGAAACAAAAGTGTACTTTATGGTGA  
CGATCATAAATGCTATGTTGTATTTAATTGTCTTTGAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans\_c\_4392 AC174607|Solanum lycopersicum, complete sequence

AATAGATAGACCTTAAAACCCTAGAGATGTCCTTCTCCATCTCCACACGCCACCACATCCGTCGACTATCTACG  
GCAGCCACCGCCGCCGCCACCAATGCCACGGAGACGACGTCTCTTCACTATCCATTTCAAAAGCGAAGTCTA  
AACTTAGAAACGAGTATGATCCAGATAAAGCCTTAGAAATTTACTCCTCTGTTTCTAGTCACTACACCTCCCCTG  
TCACTTCTCGTTACGCTCAAGAAATAACCATCCACCGTCTCGCTAAGTCCCGTCGATTCAAGGACATCGAATCC  
CTAATCGAGTCCCATAAAAACGACCCGAAGATCACTCAGGAACCTTTTCTGTCCACCCTGATTGATCCTACGG  
TCGAGTTGGTATGTTTCGAGCACGCCATGAGGACTTATAATCAGATGGGTGATTTAGGTACTCCTCGATCCGCA  
CTTTCACCTAATGCCCTGTTATCTGCTTGTAAACCATTGAAGCAATTGACAAGGTTCTCAACTGTTTGACGAA  
ATGCCCAAGAGATATAATTTCTCTCCAATAAGATCTCGTACGGTATCCTGGTTAAATCCTATTGCGACGCGGG  
TTCTCCTGAGAAAGCCTTACAGATTTTACGAGAAATGGAGGAAAATGACGTGGAGGTAAGTCTGTGACATTC  
ACAAACATTATAAATGCTCTGTACAAGAAGGGTGAGAGCGCAGAGGCAGAGAAAATATGGGACAAGATGAT  
ATCAAAAGGGTGTGAAACTGATGTTGGAGGCTATAATGTTAGATTGATGCACGA

>trans\_c\_4393 Novel Gene

TGCAAAAATCTGAAGAGTGTGAGGAAATAAAGTGGTTTTTCTTATCCTTCAAGAAAAGGAAGTGTGTTTGT  
TAAGTAAAGAATTTATGTATGTTGATAGAGGAAAAGTAAGAAGGAATTGGATTCTTCGTTTGGTGGATTTTGC  
TGGATGCAATTTTCAGCTCAAAAAGGTGAGATTCTTGATTTAGGAAGAATAGAATGCTGTGTGGAAATATTAT  
CAATGTTTACTTAGCTGGGCTTTTCTTCTTTTCGGGGATATGGCCATTGTCTGAAGTCTGTCCCCCACATTGC  
ACTTTCGGTATCCACTCCCCTCTTTTGTGTTAACATGACCCACTTTCTCCGCAAATATCTTTCACTTTTACTTTA  
TTATTGTTATTATATCAAGTCGGACACTATCATAAATCTTAATTTTAAAGATAAGATTATGTAATATTATTTGT  
TCTTGATTTGCAAAGATTCTAATGTTTCTTTTATTTATATGGTTGACGTGTTTGTCTGATAGTTTGCCTTGAA  
AATGTGGATTGTCACGAAAGGCACATGAATCTAGGCCATTTATATATTGGTTCGGCCCACTTATGTTGAACAA  
AAATGACATCACGTGTCATTTTAAGAGATTTTAGTAACATTGTTTTCTATTCTACCTGACATAAATTCCTTTTAA  
ATTTGATTATTTTCATTCATGTTAGGACTTTTCCACCCATTTTGTACAGACACAAAAAAAATAGAAAAAGGAA  
AAGAAGTTTCACCGAAAAA

>trans\_c\_4394 XM\_002880501|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein S11-beta (RPS11-BETA), mRNA

TAGGGTTTTACTTCGTATCAGACTCTGCGGCTTAGGCTTCTATCGGATCTTCGAAACCCTAACAATGGCGGAA  
CAGACGGAGAAGGCTTCTGAAGCAGCCCAAGGTGTTCTTAGCTCGAAGAAATCGGGCAAAGGAAAGAG  
GCCAGGAAAAGGAGGAAATCGGTTCTGGAAGAGCATTGGTTTGGGGTTCAAACTCCTAGAGATGCAATTGA  
AGGAACCTACATTGATAAGAAGTGTCCATTCACTGGCACTGTTTCTATTAGGGGGCGTATTCTTGCTGGTACCT  
GCCACAGTGCTAAGATGGTCAGAACTATCATTGTTAGACGTAATTATCTTCACTATGTGAAGAAATATCAAAG  
GTACGAAAAGAGACACTCTAACATCCCAGCACACATAGCTCCTTGCTTTAGAGTTAAAGAGGGAGACCATGTC  
ATCATTGGCCAGTGCAGGCCCTTGTCAAAGACCGTGAGGTTAATGTATTGAAAGTGATTCTGCTGGATCAT  
CCACAGGTGGAAAGAAGGCTTTCGCAGGGATTTAAGTCCAGAATTTTCAGGTCCCATATTTGTTTATGTTAAG  
GGGATGATATGTTAGCATGAGCTTTTCTCAGCTAGATGTTCTTTTCACTTTATTTATTAAGTATTTTATTATC  
GTGATACTATTGCAATTTTGATTCCCTTGAGTTTTGCTTTATCCATCAGTATCAGTACCTTCTCTGTTCTTGTTT  
CTCCAATAGTATTTTCTTCTTACGTCAAAAAA

>trans\_c\_4395 AY082005|Gossypium hirsutum ubiquitin-conjugating enzyme E2 (UBC2) mRNA, complete cds

ACCACACCTTCTCTTCTCCTCCTCCAAAATTTGAAACCCTTCTTTCTCGATCTATCTCCCAAGATTTACGTTTGT  
ACTCGAGGAATTAATGGCTTCAAAGCGTATTCTTAAGAGCTCAAGGATTACAGAAGGATCCTCCTACGTCTT  
GCAGTGCTGGTCTGTGGCTGAAGACATGTTTCATTGGCAAGCAACTATCATGGGCCCTGCTGATTCTCCATAT

TCAGGAGGTGTATTCTTAGTTTCTATTCATTTCCCTCCAGACTATCCTTTCAAGCCCCAAAGGTTGCTTTTAGG  
ACAAAGGTGTTCCACCCAAACATTAACAGCAACGGAAGCATATGTCTGGACATCCTTAAGGAACAGTGGAGC  
CCTGCGCTAACTGTTTCTAAGGTGCTGTTGTCCATATGCTCTCTGTTAACTGATCCCAACCCTGACGATCCTCTC  
GTTCTGAAATTGCTCACATGTACAAGACTGATAGAACCAAGTATGAAGCAACAGCACGTAGCTGGACTCAA  
AGTATGCTATGGGATAGTGGACTACAGCCTCACCCAACTCAGCCTGCGAAGATAGAAGTTCCTTTGAAAGTT  
GTTTTCCATGAAGTGAAAGAAATGAAGGCCTCTGTATTCGTAAGACTTAATTTTTTTGCAAGGAACCTGACTT  
TTATTGTGAATATTGATTTGAAGAAATTATATAATGGAAGATCTGTAAGTATATTACTCCTTATTGTCAAATGA  
TTGTTTTCCATATTTGTTATGAGTTTAAAAAGTTGTTTGATTGCCCCC

>trans\_c\_4396 NM\_202760|Arabidopsis thaliana PIP1;4 (PLASMA MEMBRANE INTRINSIC PROTEIN  
1;4); water channel (PIP1;4) mRNA, complete cds

TGCTACGATGTAAATAGATTCTCAAACCTATTCATTATAAGAATGTAAATAAAGATACATCCCTAATAAAATAA  
TCATAATAATCATACCAGGATAGACAAAATGGAAGCTGATGGTTTGAGCTAAAGCTTGGACTTGGGAATTGGA  
GGTTCTCTAGACCATGAAGGAGGGATGACTCTGTAATCTTGAGTTGGCTCTTCAGTCTTTACTTTTCTTTTCC  
ATTTCTTTTCTTCTTCATCGTCATCCAAGATATCTTTGAGAATGCATTTGGGTTGCAGTGTTTTGGTTCATT  
TGGCCACCATTCCCATCACCGGAACCGGCATTAATCCGGCCAGGAGTCTCGGAGCTGCAATCATCTACAACAG  
GCAACACGCTTGGGATGACCATTGGATCTTCTGGGTGGGACCTTTCATCGGAGCTGCTTTGGCTGCTATTTACC  
ACCAAATCATCATCAGAGCCATTCCATTCAAGGCCAGAGCTTGAAGATCAGAAGAACAGTTTCAAAATTCTTA  
ATATCATTATTATCATTTCTTTGAGGTTATCTTTGGAATATATCATCTTCTTTTTTCAATTTCTTTCTTAATATGT  
GTGTTCTTCTTTATCTCTTTTTTGGTATCTGTAAACTTCGTTTATTTGGTGTCTTGAGAGAAACTGAGATGGG  
TTTGTGTGTAATTAAGTTATCTGTCTTAATTATTAGTGGATGTTGTAATTTCAAGTTATGTAATGGATTATAT  
ATTAATTCTTTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4397 XM\_002303755|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca2  
(Lhca2-2), mRNA

ACTCACAAATTTCAACTCAAACAATCCTCCACACAACCAAACCAACCATCTCCGTCACTCCCCAATTTTTCTTTT  
AGAAGAAACCATTAATGGCTTCCGCTTGTGCTTCTTCCGCCATTGCCGCCGTGGCAATTTCTTCGTCAAGTTCA  
TCGAAGAATGGCTGCCCCAAGCTGGCTTCTAACTTCTTGCTGGCAAGAAGCTTAGGCTGAGAACTTAAATG  
CTGCTGCTGTCTGTTGCTCCTCGATCCGCTCCGGTATGCGCCGACGCCGATCCCGATAGACCTCTTTGGTTCCCT  
GGCAGCACCCCTCCTCCGTGGCTCGATGGCAGCCTTCCGGTGACTTTGGCTTTGACCTCTTGGTCTTGCGTC  
TGATCCGGAAAGTTTGAGATGGAACCAACAGGCGGAGCTCGTACACTGCCGATGGGCAATGTTGGGGGCAG  
CAGGAATTTTCATCCCGGAATTCTTGACAAAGATCGGTATATTGAACACTCCTTCGTGGTACTCCGCCGGTGAA  
TTGGAATATTTACCGACACCACCACTCTATTATAGTGGAACTCATTTTCATCGGTTGGGCCGAGGGTAGACG  
GTGGGCCGACATCCTCAAACCCGGCTGCGTCAACACCGACCCGATTTCCCTAACAACTGACCCGAACC  
GACGTCGGGTACCCTGGTGGCCTCTGGTTTGACCCACTCGGATGGGGCAGCGGATCACCGGAAAAGATTAAG  
GAATTGAGAACGAAAGAGATTAAGAACGGACGATTGGCTATGGTGGCGGTGATGG

>trans\_c\_4398 NM\_106743|Arabidopsis thaliana phospholipid/glycerol acyltransferase family  
protein (AT1G80950) mRNA, complete cds

CGCATTTCCGGCGGGGAGCAAAGCAAAGAAAAGCTTTATCGATTGATTTTGGCGTTCGTGGAGGAGGGAGG  
GAAATGGCGTCTGAGCTCCAGCAATTGAGGTTCAACCCACCCCAATCCAACGCATCCGACGAATCCTCTGCCA  
AAGACGATCACCACTCTTGAACCTCCGACTCTCCCGCCGTGCGCGACAGGATTCCGACGATCTCCACCAAAT  
TATGCTCCCTTTGTCCGACGAGACGTTTACGGCACCATGGGCCGAGGAGAGCTTCCGTGGATGGAGAACTG  
CTACTCGCAATGGCCCTCCTTACAATCGTTCCTATACGGGTGGTTATTGGGATGACTTTGCTGGTTCTCTATTAC

ACGATTTGCAGAGTTTGTACGTTATTTACGATCCGAATAGGGAGACAGATGAGCAGGAGGATTACGCGCAT  
ATGGTTGGATGGAGGAGGTCTGTGATTGTTTGGACCGGAAGATTTCTGTCTAGAGCCGTGTTATTCGTGTTAG  
GGTTTTATTGGATTTCCGAAGTTTATCGAATCCCGCCTAATGGGGACAAGTCAACTGACGAGAATGAGGGGC  
AAGAGAAGTCTCAAGAGTCTGAAAGACCTGGGGCTATTATCAGCAACCATGTATCATATTTGGATATTTTGT  
TCATATGTCTTCTTCTTTCCCAAGCTTTGTTGCTAAGAGATCAGTGGCTAAACTTCCTCTTGTGGTATTATCAG  
CAAGTGCCTTGGTTGTGTCTATGTTCAAAGGGAGTCAAAGACATCTGAATCTAANGGTG

>trans\_c\_4399 NM\_001054213 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0667000 (Os02g0667000)  
mRNA, complete cds

ACTCAATATCAAAATCGGTCTTCCGTCGTTGAATCCTCAAAGAAATCGGAACCGAACGACAGAAATGATTATA  
CCTCCGATTGAATCAAGCAGGGAATTCGCTTCACTTTAATCTGCACCATCAGTGTTATCCTCTTCATTTTGATCA  
TTAAGGAAAGAGAAATCGCGATGGTCTTCCCATGATTTACGTGAATTTATTCTTCGAGCAAGAGTGTTGAA  
ACTGTATAGACAGGGTTTAAGAACAGCTCGGAAAGCACCTGTTGATGGTCGAGGTAAAGCTTTGTTTAATGG  
GATTTTATGATGACTTTGTGTTGTGGTTGTGGAAATTCATGAATTGGATTTGATGATACTGGAACAGATGAAT  
TGAGGCATATGATGAGAGAAGAAATGGAGAAGAACAGAAAGTGTAATGATAGACAGAAAATAAGATTTTTG  
TTGAGCGAAGGAATAGAGAGATTGAAGCAATTAGATGAGATGCTGGATATGCAAGGCCATTAAGTAGAGATC  
TTTCTTTCTTTCTTTTTTTATTAATTTTGATTATTGGGAGTTAAGTTTTCTCCAATCATTTTGGAGTGTCTCATA  
GAAAGGAATGTTGTTTTAGGGGAAGGATATGAGTTTGGTTAAGGGCTTATCTTCAAGTTATTGTAATCAAATT  
GTGATTAAGGTACAAAGGAGTTATTAATTCATTTCCACATTATTTGTATCAGTTTGATTTTTATGTTAGGTTT  
TGAAATAAGAAACTGAAATCATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4400 Novel Gene

TTCATATAGCAGATGTGCAGAAGATTGTCGAGAGGTCCCAATCAAATAAATTGGTAGGTGACTTTGAGTGG  
TTGAGAAAAGAAAATACCGGCAATGGCTAAGTTATAAAAAATCTCCACCACTTAGTGGTGATACAACTCTGTG  
CTCAACTGTACGTATTGGGTGACGTGTGATTGTTGTATCATATAAAAGAAAAGAGAGAAAAGAAAAGAAATGGT  
AAATCTAGGATGAGGATAATGCTTATGGGTCCCATGAGTTGCAGCGTTCAAAGTGGGATTTCTCCGAATCTCG  
CTGGTTCCTTCACTTTGGTTTGCAATCCCAATCCGAGGAGAGTTTCTTCATTCCTTCCAGAAATAGAAGTAGA  
ATTAGAATTAGAAGTAGAAGTATAAGTAGGGTCCTCCTGATCATTACTAAACGCCATTTAGCAAGAACAGAA  
TATTTCACTCTCAAGCACAACTCCCCTACTTTCTGCCGAGAGAAGATGGAATTTGTCTGTGTATGCAACCACCT  
CTCTGGACCTTCCGCTGCTTCCCTTTGGTGTCAATGACGTAAATCACCAACCCCTTCTCTGCATTTACTTCAACTT  
TTATTAGCTCTGCACCAAATCCCCAACCTATGTAATCTGAACAAAAATCAATTCCTTCTTTTACTTTCTATTTTG  
TGTCCATGGTGGATTTTGTCTCTTTTCTTAGCTATCTTTGAATGTTTTCTGTAGCTCTTCTTAAATATAACGT  
CGTTTCATCCCCTCCAATCTTCCTTATCTTTATCAACTGCTACAACA

>trans\_c\_4401 XM\_002317876 | *Populus trichocarpa* plant synaptotagmin (NTMC2T3.1), mRNA

ACATGTTAACTACAATTGAACCACACTCATTTTAACAAATCCTTTCAATTCTTGTTATGCTCTTCTATTTGAGCT  
CAAACACTAAAAGCAACAACAAGAACACTTATTCTCCAACCTTTAAAGTGTACAGAAGTTTACAATGAGCTTAC  
AATCATGGAAAAGTGAATTGGCTTGTAATTGTGCATCATACAGGGGGACTAACTTTAACCAATCGATCTTACA  
GAACTATGCACCTATCTGAAGTGCTCTCTATGGATAATTAAGTCAAGAAGAGTTCAATTTCCAGAAGATTTT  
CAACTAATTGATGAAGGAGAACTAAGAATTTCTGGCCAAGCTCCTTTACCTTATTTATAAGAAGCGTTTGTTT  
AGTTTCAAGTTGTAATATATATCTCTTGCAGTTCTCCAGGCTTTCTAGTTCAATCAACGATGCCGAAAGACC  
GTCAAGATTAGCCTCCTCGATTAAAGCGTGAAACTTGCTGATTGTCTGCTTCATCTGACTTGAAACTTGATGTG  
CCTTGGTGACAGATGATTCAGAATCCGAGGCGGGTTCTAACTAAGTCTTCTCTCTTCTCTACATCTGGAAC  
TTTCTTGTGATTTGGATGTGGATCTCTCCTCGTTTAACCCCTGAAGAGGTATCCATTTGTCAGCCATTTGGTTT

GGAGGCAATCTTTGATACTCGACAACACAGTCGCCTATGCTTGATGTGGGTAGTAAAGCATTGTGGTCTTTCA  
CATGCAACAGTAAAGGGCTGCCATCATCAGGGAAGTCTAAGGTCTG

>trans\_c\_4402 FM212562|Nicotiana benthamiana partial mRNA for TOM1 protein

ATATACATCGGAGTGAATGACAACAGTGTGGTAGAATTCATCGGAAAAATTTTCATTGCAGTGGTATCGTTCA  
TAGCTGCATTAGGCTTCTTGATATATGGTGGAAGATTGTTTTTCATGCTTAGACGTTTTCCAATTGAATCTAAA  
GGGAGAAGGAAGAACTTCATGAGGTTGGATCTGTAAGTCCCATATGCTTTACTTGCTTCCTCATTGATGCTT  
TGTGGTTGCTTTATCCGCTTTTGACGCAGATGCATCACTTGATGTTTTAGATCACCTCTTCTGAATTTATCTAC  
TACTTGTTGGTCGAAATCTTCTTCAGCATTAGTTCTTTACATATTACGCAAATTGCCTCCTAAGAGAATATCA  
GCTCAGTACCACCCCATTCGCTAGTCAATGTGCATTACATTCTGTACACTTCTTCACCTCCTGGGGTTGGTTTT  
TTCAATTATCTGGAGTAGTGGATTCTTACCTAACTGGAAGAAAAAAGTACGTAAATGTGGCATTCTGCTGTGG  
CATGTAATGCCAAAGATAGTCCCAGCTGTTTGCTGCTAGCTGAGAGCAATTATGAACTCTTCTTCGGTGTG  
TCTGATTTGTGAACAACCTCATTCTGTTTGGTCTAATTGTGCAAGATAGATTCTGTAAGATGAAGTATTGTGTG  
TTTTGATGAGTATCACAGTGTTGAGGACTCGAAGAACTGCTTGTAATTTATTTTTGCTTATCGATGCTATTGTT  
TGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4403 AY094431|Arabidopsis thaliana AT5g61670/k11j9\_190 mRNA, complete cds

TGGCGCACAAGGCTTGCTCAGCTCAGTCCTTCGATTTCTCAGAAATCTTTCAAGCCGAAACACTCATAAGAAT  
CGCAACAAAAGTTGAACAATTTGCTTCTTGTTTTTGATTTCAATTGATCGAGTTTTGGTGGCTTCATA  
TCCAATCAATCATCTGATTGACCTCACAGTTCCGAATCGATTACTGTTGGAGCACTTGTTCACTTCCAGGTT  
GAATTCTGGTAAAGAACGGCAGAAGTTGAGCTCGAGGTGGCGATGGCGATCCATGGCCTCGGATTCTACTGA  
CTCTTCTTCTTCTTCTTTGCTCCGTCTGTTGAATCTGATCCTTCGGATAAACTTCAGCCAGTTTTGTATCA  
TAGAGGGACCGGAAACAGTACAAGATTTGCAAAAATGGAAGTCAAGAAATTCAGGAGAACATTCGAAGTC  
GTCGAAACAAAATTTCTTGCATATGGAAGAGGTTGTCGGCTGAGGATACAACAGAGAATAAAAAATGCTG  
AACTTGGAAATTTCAAAGGAAGAGCGAGAGAATGAATTACCCAATTTCCATCATTCCATTCTTACCCCG  
CTGAGTTCAGAGAACCTGAAGCTGTACTATGTTACATGCTATTCTTATTGCTGGCATAATACTATTTGGAGG  
TCTATTAGACCCACGCTTGAGCTGAAGCTGGGACTGGGAGGTACATCATATGAAGATTTTATTCGTAGTGTG  
CATCTCCAATGCAGCTAAGTCAAGTTGATCCGATTGTGGCATCTTTTTCG

>trans\_c\_4404 DQ233245|Coffea canephora plastid terminal oxidase (PTOX) mRNA, complete cds;  
nuclear gene for plastid product

TGAAAGTTTTGGGTGGTGGAGAAGAGCTGATTATCTAAAAGTTCACTTTGCTGAGAGCTGGAATGAGATGCA  
TCACTTGTTGATCATGGAGGAAGTGGGGGTAATGATTGGTGGTTCGATCGTTTTCTCGCGCAACATATTGCT  
GTAGCTTATTACTTCATGACAGTATTTATGTACATGATTAGCCCAAGAATGGCATATCATCTTCTGAATGTGTT  
GAAAGCCATGCATTTCAACTTATGATAAGTTCCTAAAGGCCCAAGGAGATGAGTTGAAAAAATTGCCTGCTC  
CTGAGGTTGCTGTGAAATATTACCTGAAGGAGACTTGTAATTATTTGATGAATTTCAAACATCGAGGCCTCCC  
AAATCACGAAGACCAAAGATAGAGAGCTTGACGACGTGTTTGTTAACATCAGAGACGACGAAGGCGAGCAT  
TGCAAGACAATGAAAGCTTGTCATCGCACGGGAATCTCCGGTACCACATTCTATTTCAGATAGCTTCGTGA  
AGATAACGAGTCACTCTGTGACCCTAACGAAGTAGATTGTGAAGGCATTGTAGACTCTATGAAGAAATCAGTT  
ACTTCTTCCCCTTCGATAACACAAAATCTATGATATATGTAAAATGTAAGTTTACTAGATTTCATACATAGTAAAT  
ATTTACTAGTGAACAAGAAATGCAAGATCCATATATGTATACGCTATTCTTACAAAAGATGACATTGTGCCT  
ATGAAATACAGTGGTTAATGGTTATATTAGTTGTGTAGAGTTCAAAATTCTAAT

>trans\_c\_4405 BT003682|Arabidopsis thaliana At1g79200 mRNA, complete cds

AATGTTACGGCGGTCACCGACTGCCTGAATCGGTCATCGAACTTGAATCACCTAATTTACGACCTTCGTTCA  
ATTTTGCTATGGGCGGAAGCGAAAGAAAATCCAAGGAGAAAAGGAAGCATAGAAAATCGGCTTCATCTTCTG  
AAGACGAGAAGAGAAGCAAGAGACCAAGAGCTGCAGAAGATGAGGAAAGGGAAAAGCAGAAGGAGTGATA  
AGAGAGAGAAGCGCAAGGAGAAGAAATCTCACAAGCACTCTAAAAGCCATTAGAGAAGAAGTCGAAGGAT  
CTTCACAAAGGCAAGCATCACAAGGGTGATCACCTTTCAAGAACCAAAATTCAAGAACTGTCCAAGGAAGATT  
ATTTCTCAAAGAATAATGAGTTTGCTACCTGGTTGAAAGATGTGAAGAATGTGTATTTTCTGATCTTTCTTCA  
GAATCTGCTCGCGAACTTTTCTCAGATTTTGTGAACTGTGGAATGACAGAAAGCTTGAATCTCGATATTACGA  
GGGTATTTCAAGTGGGCTCGGACATCCCATAACTGGAAAATCAAAGGGTGATAACTTAGCAAGCATGGTTT  
GAAGGAACAAAGAAATGAATGAACAAGATTGTCTGAATTATTGCATTTTGGTTTTCTGCTATACTAGTAGTTT  
CTAAACAGCAGATTGTATCCTCTTGCCAACACCGGATGCATATGAGAATTCCATCTTCTCCATAGAATTATAGT  
CTTACCCTTGCTTCTGATATGGAATGTAAAACTCTTCTTATTTGCTGTAGTGGAAAACGT

>trans\_c\_4406 HQ323257|Vitis vinifera sucrose transporter (SUC12) gene, complete cds

AGTTCATTTCCAGTGCTGGTAACGCAGTGACCATGGCCCAGGAAGTAGTCAAAGCCATGCTGGCCATGGGTTA  
CGTGCTGGGTAAAGACACATTCACCAAAGCTAAAGCCTTCGATGAATCTCATCAGGTTTCAGCAACGGCAGCA  
GCTAAGGTAGCAGATTTGAGTCATAGAATTGGCCTTACTGACATGTTAGGTGCGGGTTTTGAAGCGGTTAAAT  
CCGTAGATGAGAAGTACCACGTATTGGAGACCACCAAATCAGCTATATCAGCCACAGGAAGAACAGCCGCTG  
CCGCTGCCGATACTGTGGTCAGGAGTAGCTACTTCTTAGGGGAGCTCTTTTCATGTCTGATGCTCTGAATCGA  
GCGGCCAAAGCTGCAGCTGACTTGGGTAGTCGTGGTCTTGAACATTAGTGCGAGAGAGTGCTTCTATCTCATC  
CATTGTAAATAAAGAAATTTAGATGCATGCCTTTAAATTTGCAAGTATTACGATATTTTATTAGATGGTACATTC  
ATCTAAATGCTGTATGTATAAGTGTAACCTTTAAATTTACAGAGTTCAATTACACGTACTAGTTATTTGACCCC  
ACAAGTTTGCTAAATTTTAACCTCAAATTCTGTAAAATTGGATCAGAGATGGTCTTTGTTGAGTCGTTTGTGAG  
TTTGTAATTCAGTACCCTTGGAGTCAAATCTATTCTTTTAGCACTCTTGAAACATCTCCCAATTTGTACTTTT  
ACAATCCTTCCGTTTACAGATTGTCTTTTCTTAAAAA

>trans\_c\_4407 XM\_002515518|Ricinus communis palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase,  
mRNA

TGGATTCTTGAGAGTGCCCCGCCACCGATATTAGAGAGTCATGAGCTTCTTCCATCAATTTGGAGTATCGGA  
GAGAATGTGGGAGGGACAGTGTCGTGCAGTCACTCACTGCGGTCACTGGCACAGACGTTGGAACTTTAGCAA  
CTTCTGGCGATGTTGACTGCAATCACTTACTTCGGTTCGAGAATGGGGCTGAGATTGTGAGAGGAAGAACAG  
AGTGGAGACCCAAATTGGGCAACAATTTATGATCCTGGATCATATTTAGCTGATCAAGGAATTTAAGCTGC  
CAACAGTAGACCTCTCGGACGAGTGTTCTGCTGCATCCATGGTTTGACCAAATTTGCTTTAAATCCTCAGA  
TATATGTCTATAAATATGGTTTTTCTCATTCTCTCTACTATAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGTT  
TTAATTTCAATTGTAATTATCTTATCTATTATTTTTTCCCTCTTGTCGCCAGAAAGGCTACTATATAATGTGTTA  
TCTTGCTCAGCCTGGTCGGTTGCTATGCAATCAATGTGTACCCACCGCTGGCTGATTGTCTCACAGCAGGTTTCG  
AAAAATATTTTGTGTATATTTTCTTGCAATTTCTTTAATTCTTGTTTGGAACTGGAAAAAAGAGGAAATTTTC  
CATTTTTTCGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4408 Novel Gene

AGTCCTACTCTCATCATTGCTATGGAAAAAACCCTCTTTTCTCTCTCTTTCTCAATTTCCCTTCTATTT  
ATACTCTCAATCCCCATTCTCCCCATTGCTAACAATTTCTCCACCTTCATACCTCCTCAATCATGTGCCATTCTT  
CCCGATTATCCTCACTCCTTCTATTAGCCTGCCGCCACCATCGACGGCGGCGCCCGTTGAGTTTACAGC  
CTCTTGAGAAGGATGAGATTGCAACGGAAGAAGCGAATTCGGCCGGCGTTAAGGTAGAAATGGAGATCAA

GAATTTGAAACTGTATATGGAGAATCAAAGCATTATTGAAGAGAACGAGAGATTGAGAAAGAAAGCGTTTCT  
TCTTCACAAAGAGAATCAGGTTTTGTTATCTCAGCTTCAGAATTTCTCCGACTATAAACCACCGCAGTCTAGCTC  
CGATTTGAGTGCCTGCAGTTGGGAAAGTAAACAAAATCATCTGTAGCGAATGAATCAAGTAGATGATTCTTCA  
ATCTTTGATAAAATTTCTTGCTAGTGATTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTCCTACGATTCCTTGGTTTGAATC  
TGTTATTTTGACAATAAATTAGGTTTTTGATTTTGAGGGGAAGGGAATAAAGGGTAGAATTTGGTTATTAGGG  
GATAGATTTTGAGAATATAGTTTATGTGATGAAATATTATGGAGCAAACTCTGTTAGTAGTTTGTACCGTTAA  
ATTCGATGTTATCTAAATTCTCCATTGATGAAACAAATTCATCC

>trans\_c\_4409 NM\_118818|Arabidopsis thaliana SUMO1 (SMALL UBIQUITIN-LIKE MODIFIER 1);  
protein binding / protein tag (SUMO1) mRNA, complete cds

ATAACCGAGGCCAAAACATCACTTCCAGATTTTCCCAACCCTTCTTCTTTACATACAAAGATCAAACAAACCCCA  
CCAAAAATTTCCCTTCTTCCAACCTCAAATAATGTCGGGTGTCACCAACCAAGAAGAGGACAAGAAACCTACC  
GATCAATCAGCTCATATCAACCTCAAAGTCAAGGGCCAGGATGGGAATGAAGTTTTCTCCGGATCAAAAGGA  
GTACCAACTGAAGAAGCTAATGAATGCTTACTGTGACAGGCAGTCGGTTGATTGAACTCCATTGCATTCTTG  
TTTGACGGCCGCCGACTGCGTGCAGAGCAGACTCCGGAAGAGCTGGAAATGGAGGATGGAGATGAGATTGA  
TGCAATGCTTCATCAGACTGGAGGTGGAGGTGCTATTATCTAAGTTAATCTCGGAGACAAAATAGTTCTCAA  
ACATCATTTGCAATCCTATAATTTCTTGCTACTGCTAGTATATGCCTGAACTTCTGCTGCTGGATGTTGCTTCT  
GTCTATATAAATTATGACTACGATTTCTGCTTCTTCCAGTTCTCTAGAAGTGAAAGAGACAATGTCGGGACTCC  
TTTATATACGTAAATGCTGTTGATGTCGATTGCTCCTATTTCATTTTCTGACTACATCCTGAAGTTACAATGTG  
ATTATGTTTGGCTTGTGTATCTTTGTTCTGGGACATGAACTTTCAAAAGGTAAATAACAGTTCTTGTGAAG  
GAGCTTCAAAGATTTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4410 AY971376|Nicotiana tabacum calcium-dependent protein kinase (CPK5) mRNA,  
complete cds

ATGAAGATTGATTGATTGCTAGGGTCCAAATTTGCTCCCATTCTTTCTAACACAATGGAAAGAAGGGGAGGGGA  
AGAAGGTGGAAAATCAGATTCCAGCTGAGTTGTGAAAAAAAAAAAAAGTAAAGGGATCTTAATTTAGAGAAT  
TGGAAAAAGCTTTGAGAATGATGATGATGGTGATGAATTTTGATGGTTCTTCCTTTTCTGTTCTTTAAGTTTTT  
ACCTTTCTTCAAAAATTCAAAGGAAGAAAGAGAGAAATTAATCTCATTGACCATCACCTTCATCCCCTCTCTTTC  
TTCTCTCCTCCTGCTGTCTGCCAAAACCTTCTCCCAATATCCATACTTCATTCTTCATCTAATATCTCTGTCA  
CTGATTAGAAGTATTTATTCAACTCCAATGGTTTCTTCCCTGAAACCCTTTGATTTCTTACAAAGCAAATAAT  
GGGTGTTTGTTCGTCCTCCAAAGTCAGTGGTTCCAATAGCAACACCAATAACACCGCCGTCAACCACCATC  
GGAGAGGTAGCACCGCCAACCCTCAACCCAGCACACCGATACAAGTCAAAATCAGAAGAGACCAATGATA  
ATCCGAAGAGGAATAGTCAGCAGCTTAAGATTAAGGAGAAAAATGTTTCGCGGCGGCAAAGTGGGTGATTCC  
TTGTGGGAAACGCACCGATTTTGGGTATCATAAGAATTTTGATGAACGGTACACGATCGGTAAATTGCTTGGA  
CACGGTCAATTTGGGTATACGTATGTAGCCGTCGATAAAGCAAATGGGGAT

>trans\_c\_4411 AL161536|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 36

ATCCAAATCTCTTGTGTGGACTTGGCAAAAGAGCTTCAAGAATACTTCATATCCGAATCTCTTGTGCGATCCTC  
AACAAACACAGCAGTCACTAATTCAACAATGGCCGCAAAATTCCTCTTTCTTCTTCCCTTACCGTCAAATTTCC  
TCTCCAACAAAACCTTCTTCTTCTTCTTCCCTCCTCTTCTTCCCTTTCTCCTCGCCAAAACCTTAGGCCAACGC  
CTTCTTCTCGTTCAAGCTTCTAGCAAATTTAGGGGGTGGCGATGCAGAAATCAAGAAGGGAGGGGAAGAAAA  
AATTTATACTAAAGAAGAGGAACCAGAGCAGTAAACAATTTTTTCCCTTTTCTGTTTTCTTTTTCTGGTATC  
AGAATGTTCAACAATTTGAGTGGAATACAAGAAGATAATTATCAAATACCAAGCTCAAAATCTGATTGGATT  
TGGTGGTGTAGGTATTGGCAAACAGCAGGGGAAAGGGAAGGGGAGAATCCTATGAAGACTCCTCTTCTTAT

>trans\_c\_4412 Novel Gene

>trans\_c\_4413 XM\_002301066|Populus trichocarpa glycosyl transferase, mRNA

GCTTCTCTACTTCAATTTCCTTTATCCCATTTGTGGACTTTGTTGAAATTGTTTCTCTCACGAAAAGGATAAGACT  
TCCAAATTTCTACTGTTTTTCCAACGGGTCTCTCCGATCTGGTCCGTAGATCAGTTGTATAACCACATTCCA  
AAACAATGGCTCTAGCATCTGTTGAAGGAAGTTCAAAGCTAAACCCGAACGCCCCGCTTTTCATCCCAGCCGC  
ATACCAGGTGGAGGATTTCTCCCCACAATGGTGGCAACTGGTGACAACCTCGACATGGTACCGTGATTACTGG  
CTGAGCCAACACCAGGAAGAGAGCGACTTCTACATCGATGGTGAAGGTGAAGATGATTTAGCAATGACATT  
GCTGAATTCCTTCCAGAAGCGTTCGATCTCGATGCGAATGAAGAACTCCGTACCATGGAAGCTGAATTCGAGG  
AGTTCATTCAAGCTTCTCTTAATGAAGGGTATCACCCAGAGAAGTAGGTTGCCTTCTAAAAGCTGACCCAAA  
AAGAACTTCCTTCGTTGATCAGCTTGCATTTTTCAGGTTTTTACCATGTTGATAAGCATAAGAAGCAAAATCTGC  
AGGTTTTTCTTTTCTTTTTTTTTTTTTTCTTCTTTCTTTCTTTTTTAAAGTAACTTGTGTACAAAGCAAAGTTGCT  
AGTTTTGCAACTTTTGCAAACCCCACTTGTTCAATTATTGTGCATCTTACTTTATAAGTGTCCAAAAAAAAGTGTA  
AAAAAAAAGGAAAATAGTTTTTAATGAGAAAGAGATATTGATTCTC



>trans\_c\_4415 AB201544|*Nicotiana benthamiana* NbNACa1 mRNA for alpha chain of nascent polypeptide associated complex, complete cds

CATCAGACGGCAGTATCCATCTTTCTTAGTTTTCTTCTACTCATCTCTGACGCCATGACTGCTCAGACCAAGGAA  
GAGCTTCTCGCCGCTGCTCTTGAAGAGCAAAAGATTAATGCTGATGAACCTGTAATTGAGGACGATGATGATG  
ATGAGGATGATGATGAGGATGATGACAAGGATGAGGATGATGCTGAAGGACATGGAGAGGCCAGTGGTAG  
GTCCAAGCAAAGCAGAAGTGAGAAAAAGAGTCGTAAAGCAATGTTGAAGCTTGAATGAAGCCTATTCCTGG  
TGTGAGCCGTGTCACAGTCAAGAAGAGCAAAAATATTCTTTTTGTCATTTGAAACCAGATGTCTTCAAGAGTC  
CCACCTCAGACACCTACATTGTTTTCGGGGAAGCAAAGATTGAAGATTGAGCTCCCAGCTACAGACTCAGGC  
TGCAGAGCAGTTCAAGGCTCTAATTTGAGTAATTTGACATCAAAGCCTGAGCCATCAACCGTAGCTCAAGAT  
GACGAAGTCGTTGATGAGACCGGGGTTGAACCCAAGGACATTGAACTGGTGATGACTCAAGCTGGGGTATCT  
AGACCAAGAGCCGTGAAAGCACTCAAAGCTGCGGATGGCGATATTGTGTCTGCCAAAACCCACTCACTAATT  
AATAAGAGCTGAGCTGTCTTTATGTGGAGTGTTGAAATTTCTTTTCTTCTTTCTTCCCATCTGTTCCACC  
TGCAGAATTTGAAAGTTGAGAGATTTAATGTTATGTAACTTAGTTTTATGGAAA

>trans\_c\_4416 AB062755|*Glycine max* SFerH-3 mRNA for ferritin, complete cds

ATCCTCATCCTTTTCCACCACACGCACACACTCTGAGTCTCTCAAACCCCTCAGAAAATTTCCATTTCTTCCTTC  
CTTTCTCAATCATGCTTCTTCGTGCTCCTTCACCCCTCTCTCTGTGCTAATTCTCTCCCCGAGAATCTCACTCCT  
CTCTTTTCTTCTTCTCTTCCATTCTCAAGCTTTCTCCCCCAGAAATGGTGCGGTTTCGCTGGTTGTTGCGGCCT  
CAAAAGGAGCTAATACTCGGCCGTTAACGGGAGTGGTTTTTGAGCCATTTGAGGAGGTTAAGAAGGAGCTTA  
GTCTTATCCCTCTGCTCCTCAAGTCTCGCTTGCTCGTCAGAAGTACACCGATGCTTGTGAGGCTGCCATTAAT  
GAGCAAATTAATGTTGAATATAATGTGTCATATGTATATCATTCCATGTATGCCTACTTTGACAGAGACAATGT  
AGCACTCAAGGGTTTGGCCAGGTTTTCAAGGAATCAAGTGAAGAAGAAAGGGATCACGCTGAGAACTGAT  
GGAATATCAGAACAAACGAGGTGGACGAGTGACATTGGAGTGTTTGATTAAGCCCTTGTGTGAATATGACAA  
TGAGGAAAAGGGAGATGCCTTGATGCAATGGAGCTCGCTTTATCCCTTGAGAAGCTAACAAATGAAAAGTT  
ACTCCACTTGACAAGGTGGCTGAAGAGAATCACGACGTGCAGATGACTGAGTTTATTGAAAGCGAATTCTTG  
GGAGAACAGGTAGAAGCAATCAAGAAAATCTCAGAGTATGTTGCACAGCT

>trans\_c\_4417 NM\_123764|*Arabidopsis thaliana* TOM22-V (TRANSLOCASE OF OUTER MEMBRANE 22-V); P-P-bond-hydrolysis-driven protein transmembrane transporter (TOM22-V) mRNA, complete cds

ACATTTCAATTTTTCAGCTCCCTCTTTTGAGAAAGAAATCCATTAGATCCCTTCGATTCTTCATTTCAATCCTTCA  
AATTCCACTTCTCTATCCTTCCATGGCGTCTCGTGGTAATAAGCGGCCTTCTATCACTAATGGCGACGACAATTT  
AGGCATCCTGTCTAGGGTTTCTCGTACCGTCTCCGATTCCCAAATCGTCCGGCGAGCAAAGAGCACAGCTTCT  
GACGCTGCCTTCGTTTCAAAAAAATCCTCCGCAGCACCGGCAAAGCTGCATGGATTGCTGGCACAACTTTTCT  
CATTTTGGTGGTGCCACTCATCATTGAGATGGATCGTGAACAGCAGTTCAATGAGCTCGAGATGCAGCAGGC  
GAGTCTACTTGGTACTCCAGCCACCGCTGGTTCTAAATGATTTCTTGATGATGGGTTCAAGGTTAAGGCTACTC  
GATGATGTTGTTGCTGTTTGGGTTTTATGGATTTTGGATAGAATTTGATTTTGAATGTCAATGGCGTACAAT  
GCCGTACCTCTGTTCTTTGTTGTGACTACCGATTAAGTCAAATGCGATATTGCTCTAGTTTAGAAATTGAGCC  
TTTAGAGAGTTAGAGTTGCGTTGCGAAGTTATATGAACTGATTCGGAGTCAATTGAAATTTTCTTCTCTCAGG  
AGGACTCTTGATTGCTGTTGTAACCTTTTTTTGTTGTTTCTTTTGTGAGAAATCGTTGGACCCCCAGAAAT  
AAGTAGAAAATTAAAATTGTACAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4418 AF150084|*Malus domestica* small zinc finger-like protein (TIM8) mRNA, partial cds

AGGGTTTTCTTCCCACTCAATTCAGATTTTCCTCGCTTCTTTCTTTGACCCATTGCTTCCCTGCCTCCCTTGGGT  
TTCTTCTTCGTTGCCACTCTTTGATCTCTTCACGGAACCTTCATTTGTTAAGAGCTCGTTTAGCCTGCCTTTTGTGCG  
CCCATCATACGGAGCTACACTTTTTCTGTAAAATTTTGTAAAGGGTTTTGCAGTCGGTCTCTACTTACAGCTGGT  
CAGATTCACGGGCTTTAACGTCTCATCAACCTTTCTAAGTTCCCATTGGATTCTCGTCTCTTAACTCCCCGGAGC  
TGATGAATTTTATCAATGAAGAGAAGCAAAGAGCTATGGTTGCTGAGATGGTGGCAAAGCTTACCAGTGTCT  
GTTGGGACAAGTGCATCACTGGAACACCAGGGAGTAAGTTCAGCTCCAGTGAATCCAAGTGTCTATCCAAGT  
TGCCAGCGCTATATGGACATGAGCATCATCATTATGAAACGATTTCAAAATAGTTAAAAGGATCTCAACGCG  
AGGCTTGCTTTTCCAGTTACAAGACAATGTATTTTCTGGGTCTATTGTTCAATTCTAACCGATAGGCAAAAGG  
TTATGAATTTCTGGAAATACTGTTCATTTTTTGAAGTTGTTGCATTCCCTAAATCAGATTATTTTACATTACATC  
TTGATGAGAAGAGTAACGAACCGAAGTAGGGTATTCTGTTTTTTAAGGAGGATAAAGAGAAAAAAAGGGGT  
ATTCTGTTTCTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4419 BT020419|Arabidopsis thaliana At1g54220 mRNA, complete cds

AATTCCTTTCTAACGTGTTCTTCATCATCTTAGCTCCACATCCATCTCCATTTGTTCTTGAACGATCCCCTTTTGC  
GCCACACAATATGGCTTACGCATCGCAAATTATCAACCATTCTAAAAAGTTGAGAAGCACTCCAAAGTTATTTT  
GACAAGCTAGCATGGTTCGCTGGTTTTTCAGAGGATGCACAGTCTCTATAGACAATGAAATCTGGAAGATCCA  
GGGTTCTGGTTACAAGGCTTCGGGAAAAGGGGGAATCAAGAACCTTGCCAATTTTAAACAATAGATCGCAATTT  
CTAATATGTCAAAGAGGTGTTTCAATGATGGCAACAAGTATTGGGAATCCTTTTTCTGGTTCACAAATTAATCC  
AGCAAGAGGTTTCTCCTCTGATTCAAGTCTTCCCCACATCAAGAGGTTGGAATGCCTTCGCTGTCCCCTACAA  
TGACTGAGGGCAATATTGCAAGGTGGTTGAAAAAAGAGGGTGATAAAATTTCTCCTGGGGAAAGTGCTCTGTG  
AAGTTGAAACAGATAAAGCAACAGTAGAAATGGAATGCATGGAGGAAGGTTATCTTGCCAAGATAATTTGTG  
GGGATGGAGCAAAGGAAATTAAGTTGGTGAGGTAATTGCCATTACCGTTGAAGATGAAGAGGATATAGCA  
AAGTTTAAGGATTATAAACCCACTTCGTCAAATACTGGTGCTGCATCTGCACCTGAGTCCCCTGCCCCTAGCCC  
ACCAAGAAAGAAGTAGTTGAGGAGCCTGTTGTTTACCTCAGCCAAGTACTGT

>trans\_c\_4420 DQ294622|Arachis hypogaea RING-box protein (RBX1a) mRNA, complete cds

AAGCCGACGGAGGAGGAAAAAGCTTCTTTCATTGCCAGTTATTTATGGCCACCTTGGAATCCGACGTTCCAAT  
GGTTTCTGCCGTCGAGGCTTCGAGCAGTGCCGGTCCTTCATCTACCAAGAAACCAAGCGTTTTGAGATCAAA  
AAGTGGAACGCCGTCGCTCTTTGGGCATGGGATATCGTTGTGATAACTGTGCGATCTGTAGGAACCATATCA  
TGGATCTTTGTATTGAGTGTCAAGCAAACCAGGCCAGCGCAACCAGCGAGGAATGTACTGTAGCGTGGGGGG  
TGTGTAATCATGCATTTCAATTCCTGTATCAGCAGATGGTTGAAGACACGTCAAGTTTGCCATTGGATAAT  
AGCGAATGGGAATTTCAGAAGTATGGTCACTAGAACTTTCGTGCTGTTGAGGATGTCTTTATTCCTTAAATTA  
TCTTGTGGCTATGAGGGCTTTGACGATGGACTCTCCAATAAAATTTCAGAACTAGCAGTCTCAAGATGCATTT  
TGTTGTTGAACTACAGTTATCCAGAGGATTAATGCCACCAACTTGAATATATTATCTGATTATATTCCAGAGA  
TGTTTATAGAAATCAGGGTAGCACTTGAACGTTAGTTTGTTTTGTGCGCGCGCGTGTGTTTTTTTTCTTTTT  
CTTTTTTAAATTTAAACAATTGGGCTAGTCCTTTGTTTTACTGCTTACAATATCTGTACTTGTATTTACTTCAAG  
GTCTCAATTAATCTGGAAATTTGGATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4421 AM745095|Arabidopsis thaliana mRNA for transglutaminase (png1p gene)

AAGGAGCCTGTTTATACCTCTTTAGCATTGCCTGTTGTGTTAGATGCTCTTGAAGAAGTAATACAAGATATCAA  
CAATGTGATAACTTTGAAAGAGCCTTTTTATGTCTTCCTCGTCTGAAGTTAAACAGAATTCATTCTGGTTCAGT  
CCTTGCAAGTGGCGAGGAACCTTCTTTTGAATAGCAACATCGGCATTTGATGGGATTCGTTTCATCCAAATGG  
GAAGAGCCAAATGGTGCGAAAGGTTGTTGGATCATGTACAAGGTATTTGACAACAAGATGGAAGAACTGGTT  
GCATATGAGTTGATATCTGCTAATGATGCACCTGAAAGGGATCCAATGGATTGGATTGTGCAAGGGAGTGAA

GATGGGGGAAACAGCTGGCATCTTATTGATGAACAAACAAATCAAATATTTGACAACCGTTTTCAACGTAGAA  
GTTTCTTTGTTACCAAACTGGTCTCTTATCAAATACTTTCAGGTTTAGATTCTTGGCAGTTCGTGATGGCGAGT  
CAACGTCAAGGTTACAAATCGGTAGCATTGATTTGTATGCTCCAAGTTTTAACTCAATAAGCTGAACTAGAGAT  
TTCCTCAACATAGTCAAATAAATAAAAGAAAAATAAACTGAAATTGAGAGTAATATGGATCTTTCAAATCTCT  
CTATAATATTGGCAGGAACAAGGAAATGACCAATGGTTTCTATGGGAATTCCATGCAAAGGTTAAAGGTATAA  
ATTCATTTCTTGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4422 Novel Gene

ATTCTCATTCAACTCTTCCCTATTATTCCTCTTTCACCTTACACTCTAATGGCACGTTCTTACGAAAAGCCTGCCT  
ATTCTCCATCAACGACAATGAGAAGCATCGAGAATTCGACCGCGACATCCGAGAAATGGTTCCACCCTCAC  
CAGTCGCTTGGGATTGCTTCGAAAAGGAGGTTCCGCCGCCAAAACCATGAACTTGTTGACGACCAAGGCTCA  
AGCGTCATCACACTTGCGGGAACCAACACCGGAGCCACCATGCGAGCAGAACTGAATGGGAAAACGATGAC  
GAAGCTTGATCAGGACACAGGTGTGGACGAGAGCGAGTCCCTCACCTCCTACATTAACAGCAACTTCCAAGCC  
ATTAACAACCTCCATCATGTTTGGAGGTAGCTACACAGGAATGACCCTGGAGTTCACATGGAGTATACCTCTG  
ATCTCCATGAAGAAGGCCATAAGGCTGAGAAAGGAGGGGCTAAAGGCAAGAAAATTGGGAAGGATAATGCC  
GAGTCCGGTGGCTCGTGGTTTTCAAAGGAATGATTTTTTTTTTTTTTTGGGGGGGGGGGGGGGAATTAA  
GAAGTAATCATAATATATATTTATATATATATGTCAATGTTTTATTATATGATCCATAAAATGTTATGCCATA  
TAAGTACTAAAGAATATTGAGGTGGTTTCTATCGGGAGCTTTTCCAATTCTTGAAGCTTAATAAACGGATTGT  
GTATTGCTCTTTTTTTAGACCTTACATTAATTCTTTACAATGTTAGCTTGAAATTT

>trans\_c\_4423 Novel Gene

CAATGGTGTCTTTTTGGCAGCTTAGCTCGACTTCCTTCTTCATTTGAGGACGGTGACTTTTCCTCAACTGCCTAT  
CATGACCTTTTGGGACAACATGCTATTTTTGCGGAGCATAACAGCAGTATCATCTGCAACTCATCCTTGCCCGTA  
TATTGCTTACTTTGGACCTATTCATCCCTCATCATCAAGTTCAAGTGCTTCTGAAGCTTCTAATTTCAAGTGGTCAT  
TGGAATGGCCCATCAGTTCCAGTGAAATACCATCTTCTTATGCCTTTCCTGCAGTGGATCTTCATTATCAAAAT  
TGGGAGCACCATTACCACCCTTTCCACAACAAACAATCGTGTTCTGCTGGTGCCGATCAGCCATCAGTGCCATC  
CGTTGCCCAAAGACCTGCTACTCGGGTCGGTTCTGAGCTACCAAGATCTGGGAGTGATTGCATCCCTTCCTCG  
TTGGTCATAGTTCCGGTGCAAGGGTTGGGAGCTCAGTTGCTTCTCAATGATTCCTCCCTATCCTGGCAGCAAT  
GCACGTGCTCGTGACCGAGTTCAAGCTCTTCAAGCATATTATCAACAACAACCCAGCACAACTGGAACCATTC  
GCACACCTGCAATTTCTGGTGGCAGAAGATCCAGTAGCCACAGAGGGATTTCACAAGCACCCATGGCCTCATC  
ATCTGAGCAACCCAGTGGCTTCTATTTCTACTCTTCAGCATCAGCTGGTCGTAGTTTCCAACCGGAAAACACCA  
TGCCAAATCGCTTTCATGCATGGGAAAGAGAACACTTGCCTTCTT

>trans\_c\_4424 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTCTCAATATCGGTGATATCATTATCATGGTCCAAAGGACCTTGAGTCTCGTTTAAGTTAC  
ACCTTAGAGGAGGGTAATCATACATGGGAGATTCACACTGGGCCTCATATTCCACAATATTCTGGCTACAACCT  
TGCTGACCCTTCTCACCATCAGCTTCAGCTTCCGTTAGCCCGTAGCTCAACATCCTATGTTTATATGCTTGTACC  
TCGCAAGTGAGAGACTGAGTAGCTTGCTCTCTTTATATAAAGGTCTTCAAATGCTGCAAGCTCCTGTTGATCA  
TGTGCCATCTTCTTCTGCAAAGCGTTTGAATTGTCGAGCCTCCATCTGGATCTCTGCCTTCTCCCTTTGCAAC  
CTCAATATCATTGACATTGCCTCGTTAGCAGCCGACGAAGAAGCATTCTCTCCTCTTCAAGTTCAACATACAA  
GTCCTGAATTGCTTGTGTTTGATTGCTAACCATTTCCGCAATGCGTTGCATTCTCAGCTTGATCCCGTAT  
AACAGAAAAGTTATCCAACCAACAATAGCGAATGGGCTATTTGAATCCAGCTCATCGTGCTTCCGTTTTACAG  
ATCGAATCCAAGTAGTTGACGGCCAGTAGTAGATAGAGAACAACCTGCACGGGCAATTACAGCATTTACCAA

ATCCAATGAAGATGGATGTGCCTCCGAATCCATAAACCAACGTGCATTCAAACCTAATCAATTAGAATAGAA  
ATTCCGACACAATTTGATTCTACAATAAGGATAAATGTGAGCT

>trans\_c\_4425 HM640001|Medicago truncatula somatic embryogenesis receptor kinase 2 (SERK2)  
mRNA, complete cds

AGCAAACCAAACCCAACGACTTCTCTTCTTGGGTCCCATTC AACCCACCCCAAAATCTTTCCTCCAATTCCCTT  
GTTCTCCCTCTCTCATGGAACCTTTCTTCTTCTCCATCTTCTCAATTTTCATCTTCTTCTTCTCTTTAGCATT  
TTCCCCCTTCATACTCTCCTCTCTCATCTTCCGGTCAACGGGGTTCTTTACGTTTTTGGGTAGCTTCCTCGAAG  
TTTCCACAGAATCAATCGGTCAATGAGGTTGGAGCTTTGATTCGAGGATTCTGTTGGGGCTTTTCGCTCATCT  
CCTTCAAATCCCCCTCACCCTCCTCTCTCGTTATGTCAAATTTTTTCCACTCTTCAATTTAGTGCTCTGGGTTT  
TGTTTTGCGTTATGTGGTGATGCTGGGCTCTTCTTCCCTTCTTTGTGGTTCACCTTCTTCTGGGTTTTGTTTC  
CTTGCTCTCTGCTAATCCTGAAGGTGATGCTTTGAATGCATTGAAGTCAAATTTACAAGATCCCAACGGTGAT  
TACAGAGTTGGGATCCGACTCTTGTTAATCCTTGCACATGGTTCATGTCACCTGTGACAGTGAGAATAGTGTC  
ACTCGAGTTGACCTTGAAATGCCAATCTATCTGGCACGTTGGTTCACAACCTGGCGATCTTCATAATTTGCA  
ATATTTGGAGCTTTACAGTAACAATATTACTGGAGAAATTCCGCCTGAGATTGGGCTTTTGACAAACCTGGTG  
AGCTTGGATCTTTACTTGAACAATTTAACTGGTCC

>trans\_c\_4426 Novel Gene

CGGCAAATTCTCGTAGAGCTCCACAAAGGGGAAGCTACTTCGGCCATCTTTTTCGTAAACATGTCTGGTTCAA  
GGAGGAAGACCAGGGAGCCTAAGGAAGAGACTGTGACTCTTGGTCCTGCAGTGAGGGAAGGCGAGCATGT  
GTTCCGGTGTGGCTCACATTTTTGCCTCGTTTAACGATACATTTATTCATGTGACTGATCTTTCTGGAAGGGAAA  
CCCTTGTCGATTACAGGTGGTATGAAGGAAAAGCTGATAGGGATGAGTCCTCCCCCTACGCAGCTATGCTTG  
CAGCACAGGATGTTTCCCAAAGATGCAAGGAACTCGGTATTACTGCTCTTCATATTAACTGCGTGCTACCGG  
AGGAAACAAGACCAAACACCCAAAAGGGGGTGCCCAATCTGCACTACGTGCTCTTGCTCGTTCTGGGATGAG  
GATTGGACGCATAGAGGATGTGACTCCAATTCCAACAGACAGCACTCGCCGAAAGGGTGGAAGAAGAGGAA  
GAAGGCTGTAAGCTTTACTTACTCCGGGATTCTACTATTATGGCTGTGTCGATGGTTTTCTCTATGGTTCTGAT  
GCTCCTTAAGCTTTGCAGCCTTAGTTTTTCAAGAACTCCAACCTGGTTTTTAATTATTGTTTTGTCAGGGATGTTTT  
GTCTTCGATTTTGTGTTTATGTTGAACCTAGACTGTGAAAGAGGAATTTTTGGCTTTAGATTAACAAATCAATACA  
ATGCCCTTTTGGTCTTAATTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4427 AF227979|Euphorbia esula 40S ribosomal protein S16 mRNA, partial cds

CTTCCACTCTCAGAACTTCCTCTCCCTCAGAGTTTAGGGTTTGTAGTAGCAGGAGGCGAAACCAGGTGAAAGA  
AAATCATGGCTGCTCCGATTGAGTCGGTTCAATGTTTCGGCCGGAAAAAGACGGCAGTGGCAGTCACCTACTG  
CAAGCGCGGTAGAGGTTTGATTAAGATCAATGGCTGCCAATCGAACTCGTGGAGCCGGAGATCCTCCGTTTC  
AAGGCTTATGAGCCTATCCTCCTCCTTGGACGACACAGGTTCTCTGGTGTGATATGCGTATTAGAGTAAAGG  
GTGGAGGTCACACCTCGCAGATTTACGCCATCCGTCAGAGTATCGCCAAGGCCTTGGTCGCGTTCTACCAGAA  
GTACGTGGACGAGCAGAGCAAGAAGGAAATCAAAGACATTCTTGTCAGGTACGACAGGACTTTACTCGTCGC  
CGATCCCCGACGCTGTGAGCCCAAGAAGTTTGGTGGTCTGGAGCTCGTGCCAGGTTCCAGAAATCTTACCGT  
TGAATCGTTTATCCATTTTGAAAAGACTTTGTGGTGTGCTGGATTTTGTGCTTTTCTTCTTTTATGCGTTTGAAT  
TTACAAGGTTGTTTTTGTGTTTAACTGTTCTATCTATTTGCTCATAAAATTAGATTTTTTGTCTAATGGTTTTG  
ACTTTTTGCTATTATTAATCTCGTTATCGGAATACTGTTAGTTAATTGGAAGCCTCGTTTTAGAATAGCATTAT  
GAATTCATGGCATTGCTTTTCTTTCGAAGCTCTGCTATTTCTCATTGTTT

>trans\_c\_4428 EF613261|Ricinus communis plastid 3-keto-acyl-ACP synthase III (KASIII) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

GGTTTTGGAGTAATCGCCCCCATTTTCTCTTTTTCCCTTTCTCCTCTGTCTCTCTTTTCTTTTCTCGGACTTTTCT  
AGGATTTTTGTCAGAATAAGCATTGAAAATCACCATTTCGATCTTTCCCTCTTATGGGTTCTGGGTTTGAATGC  
TGTTTTACCCCCATTTTCACTGTTTTAAGTTGTTGTTACTTTCCCAAGTCTCTCTTTGTTTTTGTGTTGTGGGT  
TCTGAGTGTTTAGTACAATGGCAAATACATCTGGCTTCTTGCAACATCAGTCCCAGTCTAAGGACGAGGAA  
TTTTCCATTAGGAGGCAGTTTTCGATCTGGGTTTAGATCATCTGATGGAATTCCTAAAGTAATATTCTGTTCTAC  
TTCTATCGGCGCAGAGAAGGTTTTCTTCTGGAGCTTCCCCTTCTGAATCTCGGGTGCCAGGATCCTCACCAGAG  
GCTGCAAGCTAGTTGGGTGTGGTTCAGCTGTACCAAGTCTTCAGATTCAAATGAAGATCTTGCAAAGTTGGT  
TGATACAAATGATGAATGGATATCTTCGCACTGGTATTCGCAATCGAAGGGTGATTGCAGGCAAGGACAGT  
AGCCTGACAGCTTTGGCAGCAGGGGCAGCAAGAGGAGCTCTTCAAATGGCTCAAGTTGAACCTGATGATGTA  
GACTTGGTATTAATGTGCACTTCGACACCAGAGGATCTTTTTGGCAATGCTCCACAGGTCCAAAAAGCTCTTG  
NTGTAAGAAAGAAATCCTTTGTCTTATGATATAATAGCTGCATGTA

>trans\_c\_4429 NM\_001050437|Oryza sativa Japonica Group Os01g0686000 (Os01g0686000)  
mRNA, partial cds

ACAGTACTCCGCCGCGTTTTCTTACACTTATTCTCTCTCTCTTTCTCTCTAAAACATATATTTCAGATTTCAGAA  
CTTCATTCTTTTCATCAATTGATCCAAAAACCAATTAATTCTCTCTTAAATCTCTCTCTCATCTCTCTTTACTTAA  
CAACCCAAATCCTAAAATTTCTCTAAACCATTCAAATGGGGTGTTTTCTGCTTGTTTCTCTTCCAAATCAACAA  
ACACAGCAAAGCTTCTAGACATTGATGGAGGTCTCATCGGAAAAGTAAAGCTTCCGGTGAAAGCAGCGGAGC  
TCATGCTGGAGAGCCCTGCCCATGTTATCTCTCCGGTGGATGTGCTCCGGCGAACTCGTCGGATTTCGGCCTT  
GAAAGCCGATGATGAGCTTGTTGGGTGGGAAGATATATGTGGTGGTGGCTGTGGGAAGAATTGGGTCTAAGG  
TTTCAATGGCGGAATTGGAGAATTTTGATTTGACTTGCAAAAATAGAGTGAAGAAGAATGGTTCGAAGGTGC  
AGCCGGCGGTGGCAACGGCGGCGATGGTGGCGGCGGAGGAGGATGAGATTGGAGGTGGAGTTTGTGGTTC  
TGATCAGTTGAATTGTGTTCTGTGGAAATTATAAGCGGTGGAATCCTAATTTGGAATCCATTATGAGGACTTTT  
CATTATCTTTTAGAGAGAAACATTAGAAGAGATTTAGGGGTTTGATTGATTATATATAGAACACAGAGTGTAG  
ACTAATTTGTACGATATAATTTATGGTAGATTATACTTCTCGTTCTCAGAAAAA

>trans c 4430 BT025582|Arabidopsis thaliana At3g23170 mRNA, complete cds

[illegible]

>trans\_c\_4431 NM\_001054439|Oryza sativa Japonica Group Os02g0711900 (Os02g0711900)  
mRNA, complete cds

TCTTCCATTTTGCTTCTGCTGCTCTGTTCTTTTTGGAAGTGAAGAAGGAGGAAGAACGGCGGTGGAGTTT  
CGTTTTCTTTGCTTCTTCTCCTGAAATCGTCTTCTTAGTTAGTTTCTTCTTGTGTTTGGATTTGGTTGCA  
ATTTCTGAGAAATGAATCTGTTTTCTTTTCTGTTGTGAGACGGGTGTTTGGATTCTTTGATGCTCTGAACGAT  
TCCTCAACTCGTTTTCTTGAATACCCACATCTTGATTTTGGTTTTTGGACTGGGTCTGTTTTCTCTCGTCAAT  
CTCTTCGATTTGGCTGCTGGGTATTGAGATTGGTTGGGAAATGCAGGATGTGTTTGGGAATTTGGGGT  
TTTTGATTAAGATTTCTTATTCCCTGCCGTTATGTGGGGCGTGGTTCATGCGATGCGTTTGCTTGAAGCTGTT  
GAATGATGATTTTCTCAAGATTCTAGGGTTTATGCGTTCGTTACGGCTCATATCTACTGGGTTCGGTTCAAT  
GCTTCTCGGGATTTCAAGAATTTGCGCTGTGATATGGTTTCTTACTCTCTAGCTCTGAAATTACCACACATT  
ATCGCCATTGGAACCAATTAATCAGGTACTTGCTCGTCTATTTAACAAAAATTACCTCGGTTGCTGAAAATTC  
AAGTACCATTGCATTCTGGGTGAGGTTTCAATCCGCCATTGTTGTACCTTGCAAAGCTTTACGGTTACTCCTC  
ATAATTGTACGGTGAAGAATCTGATTTCTCTGTTTCTGTGA

>trans\_c\_4432 BT014788|Arabidopsis thaliana At5g42680 gene, complete cds

ACTTACAACCAAATCAAAAAATCCCCAAACACACAAACAATAATCAACCATGCCTTCTCTTCACTCCAGCCCTT  
TCATGGACAATTCCGCCTTCTCCCCCTCTCCGTCACATTACCAAACGCCCTAAATCCTCCTCCTCACCACCAC  
CACCACCACCACCGGAGGAAGTGGCGGCGGAGGCGGCGGACTCCTTAAAATGTTCAAATTATCCCAATGTT  
AACCTCCGGGTGCAAAATGGTGGCCATCCTTGGCCGCCCCAGAAAGCCCTTTTAAAGACAACGCGACGAC  
GGGCACAATCTTCGGCTACCGTAAAGGCAGAGTAAGCTTAGCGATTCAAGAAGACCCTCACTGTCTTCCTATA  
TTCGTAATCGAATTGCCGATGCAGACGGCGGCACTGAACAAGGAAATGGCGTCGGATATTCTGAGGATCGCG  
CTGGAGAGCGAGACGAAGAGCCATAAGAAGAAGGTAATGGAGGAATTCGTGTGGGCTGTTTATTGTAATGG  
AAGGAAAATTGGGTATTCGTTTAGAAGAAAACAATGTCGGATGATGAACTTCATGTTATGCAACATTTAAGA  
GGGTTTCAATGGGTGCCGGAGTTTGGCGTCTCCGGCGTCGGAAAAGGATAATTTGGAAGGGGAATTGACA  
TATATGAGAGCTAGATTTGAAAGGGTATTGGATCTAAGGATTCGAAGCTTTGTATATGATTAATCCCGATG  
GGGCTCCCGGCCCTGAGTTGAGTATTTCTTCGTCAGATCTNCATAGAATAATATCCC

>trans\_c\_4433 Novel Gene

ACTTTTCTCTCGATCATCTCCACTTGCTCAACAATGGCGACGGCCAAGACTGTGAAAGACGTTTCTCCTCACGA  
ATTTGTGAAGGCCTACGCCGCCATCTCAAAGATCCGGAAAGGTTGAACTACCTCCCTGGACTGATATTGTT  
AAAATGCAAGATTCAAAGAATTAGCACCTTATGATGCTGATTGGTATTATCTGAGAGCTGCGAGCATGGCTA  
GGAAAATATACTTGAGGGGTGGACTTGGTGTGGGGGCTTTAAGCGGATTTATGGTGAAGCAAGAGGAAT  
GGGAGTCGCCCTCCACATTTCTGTGAAAGCAGTGGTGCTATCGCTCGTCATATTTTACAACAGTTGCAGGAAA  
TGAACATTGTTGATGTTGATCCTAAGGGTGGTAGGAGAATCACTTCAAGTGGTCGACGGGATCTTGACCAAGT  
TGCTGGCCGGATCGTTGTTGCTCCTTGATTGATGAAGAGAGATTGTGTGTTTGTGATGAGATACCACCGTG  
AAAATTTTGGATATTGAGAATGAAGATAAGCTTACTCTCATGTTTTCATGGGTTTTGGATAGTTTAAAGTTCA  
TTTTCATTTCTTGGTCATTATTTATGAGTTCTTAGGATGAAATATGTTTGTGTTTTTCAATGCTACCAGCAGTTGC  
GTGGTTGATGGTTAGAAATGGACCTTTTGTAGTAATTTTTTACATATCATATCAATTATCAATAGAGTTTGCT  
GTTTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4434 NM\_113899|Arabidopsis thaliana NLI interacting factor (NIF) family protein  
(AT3G29760) mRNA, complete cds

GTACGTCTCTCTACAAATTTATTTCCACACCCTTCCGTTTCTATTCTCGTTTTCCCTTCCCTTCTCCATTTC  
GCTTCTGAGTTCCCTCCTTTTCCCTCGTTTCGATTCTCTTTACGTTGTGACTTGTTTCAGTTCTTCGAATTTGATC  
GAGCGAAGCCAAGATTAAGGAACGTCCAGCACCAGTTTGACACGATTGAGAAAGAGAGGAGGAAATAAATT  
GAAAGGCAATGTTGAAGTCCCTTGATGATTCACAGAACCAGATTCTAAGCCAAATGAGAATGACGTTCTGAG

TTGTGCCAAAGGTTTGATTAGAGTGTCCCTTAGACATTTTGATCAAATTAATGGTGAAGTAGTGGCGGAC  
AGTTTTCAACAGCTTTCTTTGGTCTGTCCATGAAGAAGTTAATAGCTTATCGATATCCAACCTCCTCTTTCA  
CGACCCCTAATTGTCAGATGAGAAAAAGCTTCTCGTTCTTGATATAAATGGTGTGCTTGTGATATAGTATC  
TCCTCCCCCAAGGAACGGAAAGCAGACATTAATATTGCTCGACATGCAGATTCATGAAGTTCTGCTTTGAG  
AGATTTGAAATTGGCATATGGTCATCAAGAAACAGGAAGAATATATCAAGAATGGTTGATTATTTGTTGGAGA  
CATGAAGCACAAATTATTATTTGTTGGGATCTATCACACTGTGCTGCTTCAAATTTAAGACTCTCGAAAACA  
AGCATAAATGTCTAGGTTTCAGGCAACTAAGGAGACTTTGGGAGAA

>trans\_c\_4435 Novel Gene

AGATTTTCCTTTCTGACATATCATTTGAATCGACCTGTTAGCAGAAGTGGGATCGGCAAATTTCACTCAATTTT  
CATATCTGTTTCTTTAGGCTCGTCTTAAAAGAATTTTCTTTTCTTCTAGATTAGAATTCTGATTGTACTTCTC  
GATAAGCCGTGATTTTACTTTTATAACAGTATCATTCAGTGTGCAGTTCCTGATCTTGTTGAAGTAACAGTGT  
GATGTTAATTTGATGCAATGAACAAGATTTTTTAAATCTCAATTCATTTTCCAACATAATTAAGTTTTCTCAGG  
CAGGAGCTCTGTTAAATGATGTCAATGCTCCACCAGGATTCAGTCAATTGGGAAAAAGTAATTAAGTTTC  
ATTTTGTATGTGTCTTTACTTTCTACTCAATTGGTTCTGAGATTACTGATTTGTACTTCTGCCTCAGCTTTCT  
TTCGAAGAACTTCATGCAAAGAATAATCCCGATCGAGAAAATGTAGATGGCAGTGAAACAGAGGATGATAAA  
GATGGGGATGAGGTTGATGATGATGATGCAAACGACCAGGATGGAGGGGAAGATGTTGAAGATTTCTCGGC  
CGAAGAAGGTGACGACGGAGATCTAGAAGATGACCCTGAAGCCAGTGGCAATGGAAGGGCTGGAGGAGAT  
GAGGAAGACGATGGAGAAGATGACGATGATGATGCAAATGATCCAGATGAAGATGACGACGACGACGACG  
ATGAAGATTTCTCCGCTGAAGAAGGAGATGAAGGTGATCAAGAGGATGACCCC

>trans\_c\_4436 X55354|N. tabacum mRNA for a photosystem II 23kDa polypeptide

GTGCCCCTCCCTTCTCACTCACAGTTGCTGTGATCAACTGATGCTTCCACCTTCATCTCCATCTGCAGTTCTTGT  
CAACACGGATATGAAGTAGTAGTCCTTTCCATTCACGTTGGACTCTGTAGCCTCCAATATGTTTGCTGTTGCTA  
CTGCGTCCGGGTGAACCCACCCTCAGAAGCAGTCTTTCAAAGTAGGCTTGCTTTCCAGCAAATAGTCAACC  
TTGGAAAGGAAATCTTCAGGGGAGCCAAAGTCTTTGATGGTTTTCTTGTCAGTTGGGTTGATAATTACACTGA  
GATTGCTGTTGGAATCAAAGTTGTCTTCATATCTAAGAACTTGGCCTGGGAATTCCGCCGCTTTGCTTGGATTC  
CACTTAGAAGGAATTGAAAGCTTGAATCCATCTCCATTGTATGGCAAGTAATCTGTGTTGGTCTTTGGCTTTCC  
AAACACATTGGCAGCTTCTCCATAAGCAGCATCAGCCGGAGAAACCTTGGAGCCAAGAGCAGCGGCACCGAT  
GAGGACAGTGAGAGCCAATCGACGAGATAACAACACCTTCTCCTCCTGAGCGGGTTGCTGCTTCTGGGCA  
CGGCAGACGAGCAGCTGGGCAGACTTGGGCGGGGCCACCTGGCGTGGGGAAGACGAGGACCTTGC GGCGG  
CGGTGAGGGCGTGGTGGTGAAGGAAACAAGAGGTGGAAGCCATTGATGGAGGTTGTAAGTGAGTTAGAAC  
AATGATTGTGAAATGCAATGAGAATTGGGAAGTGGGTATAGAATAATGTTGGAAGG

>trans\_c\_4437 XM\_002323547|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 13 (CPK13), mRNA

ATTGTTAAACGCTCCTCTAAGACACCAAAACATCATCAACAACACAAACCCGCTTCTCATTTCTGCTGATTTTAT  
AATGCCCCTTTGTCTCAAACCTTCAACAAGTTCTGTTCCAAACTCGACAATCGCCACCCCAACCGCCATGGTTC  
TAAATTAGCTTCCTTCTCTTTCTCGTCTTCACGCATTCGAGGACGACGTGTCGGCTTGCTTGAATCATCTCTT  
ACTCTCGACTTCCGCTTCAAACCGTTGTCGTTTCATTACCTTCTCAGCTTCTCAGGGAATTGTTGTAGATCTC  
CGGCGGCTGTTGCTAGGGAGGATGTGAAATCGAGTTTTTCGGGACAGGATCATAGCCGTCGGGACTCGAATG  
CGGGAAAGAAGGTACCGGTTACGGTGTGAAATGGTGTGCCAAAGGAGAATATTGAGGAGAAGTATATGGTG  
GATCGGGAGCTTGGTCGAGGTGAGTTTGGTGTACTTATCTTTGTATAGACCGTCAAACGAGGGATTTATTGG  
CTTGTAAGAGTATTTGAAGCGGAAGTTGAGGACGGCTGTGGATATTGAGGATGTGAGGCGTGAAGTTGCAA

TTATGAAGCATTTGCCTAAGAATTCGAGTATTGTGAGCTTGAAGGAAGCTTGTGAGGATGAGAATGCTGTGCA  
TTTGGTGATGGAATTGTGTGAGGGTGGCGAGCTTTTTGATCGAATTGTTGCAAGAGGACATTACACGGAACG  
AGCAGCTGCGGCTGTTATGAGAACAAATCGTTGAGGTTGTGCAACTATGCCAT

>trans\_c\_4438 NM\_124977|Arabidopsis thaliana transporter-related (AT5G55950) mRNA,  
complete cds

ATCATACACATTCCAACCTCCATTTCAAAAACACCCCATACCCATCTTCTTAAACCTCACCCAAATCCCATCTCCA  
CCCTTCACATGCCTCTTCATACCCCTCATTGAGATTCATTAAGCTGCAGCCGCCTATTGGTTATTTTCGTGATGT  
TCATCAAATTCCTATTCAAAAAGGATGTCCGCAAGATTCTCAAGCGTAAAGATAGCGATGCCGGCCAAAGGGG  
AAGATCACTGGAGGATTTGCGTGGATCATTATTTAGCAAATTTGCTCACCTGAAGGTGCCAAGCGTCAGCAG  
CAACGTTCCCTTTGGTCCTGCTGTTGCTCTTACATTCAATTTCTTTGTTGCAGTCAGTATTATTTTCATGAATAAAT  
TGGTGCTTAAAACTGTCGGCTTTAAATCCCTATATTTCTCAGTTTTATTCATTATTTTCATTAGCTGGATATTGAT  
GGCTATTTTCAACTTTTTCTCTATCCTTCCCGCATCTCCTCTATCCAAGACCACCCGTTCTACTCTACTTACAC  
TTGGTTTAGTTATGTCCCTATCTACGGGGCTTGCCAACGTGAGCTTGAAGTATAATAGTGTGGGCTTTTATCAG  
ATGGCAAAGATTGCTGTAACCTCATCAATTGTAAGTGGCTGAATTTTTATTATATGGAAAAAAGTTTCTTTCTCG  
AAGGTCCTAGCACTTTTGGTGGTATCTATAGGTGTTGCTGTAGCTACGGTGACTGATCTGCAGTTTGATCTCTT  
TGGTGCTTGTATTGCATTGGCATGGATCATTCCAAGT

>trans\_c\_4439 DQ160112|Taraxacum officinale TO72-1rc (To72-1rc) mRNA, partial cds

AACCCACAACCTCCTTGTTCTTCTCCTTCATCAGCTCAAGTACTCTTTGAATTACCCATTTCTCAAAACTGCA  
ACTTTCTTCAATTATGACTTCAGCTCAAAAAGGTCCATTTCTGCCTAAATTTGGTGATTGGGATGAAAAGAATC  
CTGCTGCTGCTGAAGGGTTTACGGTGATTTTCAACAGGGCAAGGGATAATAAGAAGAATGGTGGAGGAGCT  
GGAACCTCTAATAACGTGATACCACCCCAAACCAAACTCAAAAGCAAGAACCTGCTAAGGAGATCAAGCAG  
AAGCAGAAGTATCCAAGAAAGCAGAAAGGATGGTGTTCCTGCTTTTGGTAGACCACTTTTGTCACAATGAAA  
GAACACAAAACCTCTTCTTCGTGGTTGGTGGCTTTGATCTTGAGTATTGATGGATGCTGTAGATTCAATTTGT  
TGTGTTGTATAAAGATTTTGGGAACTTTTCATGGGGTTTTATTCTTTTCATTACATTAATTAGGCTTCTTGGG  
TTGCCTCTCTTGTAATAATAAGAAAATAAACATTGTTTATAGAAAAGAAAAGGTTTGAGTTTACCTAANAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACC  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATAAAACCCCCAACCCCA  
AGGGGGGGGGCCCGACCCCAATTTCCCCAAAAGGGGGGATAATAAACCGCCCCC

>trans\_c\_4440 X14418|Tomato U1 small nuclear RNA gene U1.7

CTGACTTACCTGGACGGGGTCAATGGGCGATCAGGAAGATCCATGGCCTAGGTTGGTGACCTCCATTGCACAT  
ACCGGAGGGGTGCCCCCCTAAGGTCTGCCCAAAGTGGCAGAGCCTACGTCATAATTTGTGGTAGTGGGGGCC  
TGCGTTCGCGCGGCCCTTCCCAATTCGACCAGTTTTTCAACTCTTCTCTCCTAGTTCATTAATGTGTTGAG  
GAAGCTCTTAATTTGGGGCTCTGAGGCTGATTCATAAGTTTAAGGGACTAAATTTGTGGCTCCTAATGGAGA  
GTTTTGGCTGTATCTTCGGGTGTGATATCTGTTACTTTTCTCCCCTTTGATAAAGCGTCAAGTTGCTGTATAGA  
GGGCTGTATCTAAATCCTCTTATCGAAATTCGTCAGCATAATTTTTCTTTTAGCTTTTGAGGCTACAGAGGGT  
CTATATGCATAATCTAGTCGTGTCAAGTTGCTGTATATTGTCAATTATTTCTGATATGATACTCAACTGAGAGG  
GATTTCTTCGAACCTATATAGTAGGTGAAGTAGAAAACGTGAAAGATTTGATATATCAAGTAGCTGTGCAAGC  
TTTTATATCTTCTGGATGAGGTTGTGTGGGCTTTGATCATATAATAGGGATCCATATTTTCCAAAGTGCAAAA  
ACTTAAATAAGTTTGATAGTCTAATTTTTAAATTTGGGATTTAATTTTTAGTTTAGAAAGTTTAAAGATATTTGG  
GTGATTTTTGCAATTTACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_4441 NM\_115723|Arabidopsis thaliana ketol-acid reductoisomerase (AT3G58610) mRNA, complete cds

ATCACGTCCTGCAGGTGACCTTGGTCCGTTGTATCCTTTCAGTCTGGTGTATATGTGGCATTGATGATGGCAC  
AGATTGAGATTCTGAGGAAAAAGGGCCACTCTTACTCTGAGATCATCAACGAAAGTGTGATCGAATCAGTCG  
ACTCTTTGAACCGTTCATGCATGCCCGTGGTGTTCCTTTCATGGTCGACAATTGTTCCACAACGACGATTG  
GGATCTCGAAAGTGGGCTCCTCGTTTCGACTACATTCTACCCAACAAGCTCTGGTTGCCATTGACAACGGTTC  
AGCCATTAACCAAGACCTTATCAGTAACTTCCTGTCTGACCCAGTTCACGGAGCAATTGAAGTTTGCGCCCAGT  
TGAGACCTACTGTTGACATTTCTGTTCCAGCTGATGCTGATTTCGTTTCGCCCAGAACTACGTCAATCGAGCAAC  
TAAATATGCCAACTGAATTAGATCGATCATGCTCGACGAAGGACTGCTGTATGTATCTACAAAATATGTACT  
GTTATCCTGATCTTCTTCAAGATCTAGTTTTTTCAAGTTTACTATAAGAGTTAGTTGAGCGATTGGTAATAATAA  
ATAGAGAATGTTCTGAGTTTTCTGGTTGTTTTGGCTAAGTCGTTTCGTTATGTAGACCTGTGGGGATAATTAT  
CAACTCCGACTTTTATGGCATCTAATATTAGTTTCATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4442 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

AGACCCATCCCCAACACCTATTGAGAAAAAAATCGATATCTTATCCAAGCATATATAAAATAAATGAGTGATT  
CAATGTAAGAAAAAATTTAGTGGATTCCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTAC  
AGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTTCTGGGTCGTCTCAACCT  
TGCGATGGGGCTTTAGCCCCCAAAATATGTCGCTCCCTACATCCAAAGGATTTACTTGTTACTAATAGAGTC  
TAGCCTATGTTCTTCTTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGA  
ATGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTGAAATAGATAAAACATAATCTGTATTATGGCATATATATCACCTATTCT  
AATGGATCTTACGGAGCCTGGTCATGCACGACATGGTCAAGTCTGATCATGGAAAAGATTCTCTTCAAGCGAA  
CCAGCCTACCCTCTGTATGGAGCTTTCGCGGTGGTTGGAATAAAGACACATTTTGTTGTGAATCCCAATGTGG  
CAGATAAAAAGACATATATCTACACGGTCCAATCAATAGTTCAAGTCACACACTCCCATAATCCATTTTCTCTTC  
GAAGAATTCCCTTCAACGATTATTGACCCCGCCATCCGCCCAAAGAAAGAGGAGAAGAATATTCTGGTGTCC  
TAGGCGTAGAGGAACCAACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAA

>trans c 4443 XM 002886249|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GTTTCGATTGTA  
CTACTATTTGG  
CATTGTGTTAT  
GAGTAAACTGG  
ATCAGCAACAT  
CCGTTGAAACG  
AGGGGCTTTCT  
TCGGTTTTGCT  
CTTGCTTCACA  
AGGTTAATTAG  
TCGTTCAGCTT  
TCACCATCTGT  
ATCCGACTGTG  
GGTGTCTGTG  
CTTCTTGTA  
GTCTTGTTTGA  
CTCCAATTGA  
AGCAATCCATT  
TGTCTTTAAG  
CTCTGTGCTC  
GAATGGGT  
TTTGCTTTAT  
TTCTCTTG  
GGTATTTGTC  
GCCGATTGGA  
ATCATTGAGG  
TTTATGGTTG  
ATAATTAGC  
CTTATTTTC  
CTGATATGGT  
GGGCAGAGA  
AAGTCTTG  
GGTGTTCGGA  
ATTCCAGATA  
AAGTGGATT  
TGGACTTTTT  
TCCAGAAC  
TGTTATTGCT  
TTGTGGGTT  
ATTCAATTG  
TTTGGTTCC  
CAGCCTGTG  
GGATGGTCT  
TAGACCATT  
GAGGGAGAG  
GGGCTCGAT  
CATGGGGC  
GATGAGTGG  
TTGTTTGTA  
AGAAAAGATA  
AAGAGTGATT  
TGGGTCCATT  
TTTCTGAAT  
GGAA  
TATTACAGGA  
ACATATAG  
AGGCAGTT  
GGAGTTTT  
CTAGATTCC  
ACAAATAA  
CTCTCCAG  
GTTTCCAG  
ATTCA  
GAAATTCCA  
ATGGGAATT  
CAATCATT  
GAATTAAT  
TAGTACAC  
CTACCAA  
AATATCTG  
GTGTACAT  
TATGTTCA  
GGAGTTGT  
TATTTTCAT  
GATGTAATT  
GGTAATGA  
ACATGAAG  
TTGGTGG  
AGTTCAA  
ATTAAGGT  
TGAGGGTG  
TGTATATTT  
GGCCTTTT  
AGACAGCT  
TCGGATGG  
TAGCTAAC  
CAGC

>trans c 4444 AY053419|Arabidopsis thaliana T5E21.14/T5E21.14 mRNA, complete cds

TACGCTTATTGTTTGTACTACTACTACGCTCGATCAGATATGTCTGGGTTTATGCAAACATCATTTTTCTTCGGC  
TACATGGCTTGTGTCTGCTATGGCTTCTTCCTGATGCTTGGAGCTATTGGTTTTCGAGCAGCTTGGCTTTTGTG  
CGCCACATATATCGGTCTATCAAGTGCGAGTAGTCCTGGGTATTCACACTCAATACTGAGAAGTCGAGTTGT  
GTTTCTTTTTCAAATTCATAGTTTCTATGTAGAAAAGTTACCTGCAGCAGTCCTTTATTTGTTCTTTTTTGGTGA  
TATGTCTTAAAAAGGGAACAGCAATTTCTTTAGATATTATATGCTCTAAGAGCAGGGCAGCGGTATGGTGGCA  
GGATGGATGACCGTGCCAGGCACGAACCTGGGGAACGGAGTTTGTACCATTACATTAGTTGCAACACTTTTGT  
TTAATCTGAACCTTGTTC AACACATTATTGTTCTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGACGGCCCCCCC  
CTCCCTAAACAAATTTATCCCGACCACCTACAGGGGGGGGGCCGGCCCCCACCTCACCTACATAGAGTGAGAT  
TAATCACGCTCGCTGACCGGCCTTTTATTACCACCGGACTGGCAGAAACAAGCCTGTACCCACCTAAATCACCT  
TGCATGACATCCCCCTTCTTCCGCTGGCTGAATAAATAACAAACACGCCCCGATCGATCTTCTTACCAATGC  
GTACCCAGAATGAATGATGAAAGGCACCCTGCCAGGACCCATTAA

>trans\_c\_4445 NM\_115506|Arabidopsis thaliana myosin heavy chain-related (AT3G56480) mRNA,  
complete cds

ACTTTACAAAAGCAAGGCATAACCGCCTCTCCCTTTAGATTCTTTCTATTCTCATTCTTCTCCACCTCTTTGTT  
TCTCCCTTTCTTCTCTCTCTTTTTCTTGAAGAACTTCTGTTTGTGATCTGGGTTTGGCTTGGTTCCATGTTTTTC  
ATCATATTTTGCCTATAATCTAGAATCAAATTCTGATCGATGACGAAGATTAGTCCCAGTTTGAAGAACTAT  
GCACATGGAGGGAATTTTGCCAGTTTCAGTTGATGTTAGCTTTGCCTCCAATCAATTTCCAAAATATAAATTAG  
GACCTGACAAATCAGATTTTGAAGAGCCCCAGGATGACGACCAGGGCCCTTCTCTTAAAGAGGTTATCGAACA  
AGAACTGCCAGTTGTCTAGAGCAGCACAAGCGACTCTCAGTTCTGACCTTGCTTGTAATTGACAAGAAC  
TTGTCTTCTGCCGCTAAGCTGTCTGATGAGGCAAAGCTGAGGGAAGTCCCTTCACTGGAGGGACATGTTCTTT  
TGAAGAAGCTTCGTGATGCATTAGAATATCTGAAAGGTCGTTTGGCTGGGCGAAATAAGGAGGATGTGGAGA  
AAGCTATCTCCATGGTGAAGCTTTAGCTGTTAAGTTAACTCAAAAAGAAGGAGAACTGATTCAAGAAAAGTT  
TGAAGTGAAGAAGCTGGCAACCTTTCTCAACAGGCTTCTGAAGATGCTAAGAGGTTGGTTAACCAGGAAAA  
GTCTTTTGCTTGCCTGAAATTGAGAGCGCAAGAGCAGTTGTGCAGCG

>trans\_c\_4446 NM\_001055391|Oryza sativa Japonica Group Os03g0130700 (Os03g0130700)  
mRNA, complete cds

AGTGGTGGGAATTCCAAAAGGAACTCTGAAATGGGAGGGCCAGGGCGGTGCCTGCTGGTTACGGGTCTCTCC  
GGGTGTGGGCAAACCACTCTGATCGTTAAGGTTTTTGAAGATGCTTAAAGCCTCTAGCCCTAACTTGAAGATC  
AAAGGCTTCTATACACGAGAAATCAGGCAAGGAAGCCAGCGTATTGGTTTTGAAGTTGTTACATTAGATGGCC  
GGACAGCTCCCCCTTGCCTCCACCTCTGTGTCCAGCTCAGAGTCTTAAAGATGGCCAACCTGTTGGGAGATATAAA  
GTCGATATAGCATCATTTGAGTCATTGGCGTTGCCAGAACTGCACGTTGAAAAAGATACAGATCTTTTCATCAT  
AGATGAGGTTGGGAAGAAGGAACCTATTACTTCATAGTTTTTCCGGCTGTTTTGAAGTTTTGGAATCAAGT  
ACTCCACTTTTGGCTTCGATCCCCATTCCCAAGTTTGGACGGGATATACCTGGAGTTGCAAGGCTGAGAAATCA  
TCCAGGGGCAAATATATTGACGCTGAATCCAAGTAATAGGGATGGGGCTAAAGAGCAAATTCATGGTCAGAT  
ATTAACATGCTGGAACAGCAGCATAAGCATTAAAGCCTTAATGCTTTGCTTGCTTCTATCTACCTAAGCCACCT  
CTTCCCTCTACACACAAGTTGGGAAATCAAAGCCACTGTATGGTGGGTGGCAGCCAATTTATACTTACACCAG  
CCGATGAAAACCCGTA CTCTTCTTGATTTGATCAACTGCACCTGCTGCCTTG

>trans\_c\_4447 BT011719|Arabidopsis thaliana At1g32630 gene, complete cds

ACCTTCTTCATCTTCTCCCTAACCAAGCTTCAATCAACCGGTACAGATCTTCATTTTTCCAAGGTTTGTAGGCTGT  
TGGCAAGGATCTTATTAGTTGCTTCTGAAAGTTGAAAGATTGAGAAATGGCGATGAAGCAGTGATTAACCTTT  
GTATTGCTTCAAATACACACCTTCTCAATATGGAACATGTGCAAAATCAGCACGTTATGGATCAAGACAAAG

GCAATAGGATAGACAATGATATCATGACCCGTCGACTGAAGAATCGAGAAAGGCAACGCAGATATAGAGCTC  
GGAAACGTCTAGAAGAAGAAATAAAGAAAGCTTCAATTGCGAAACAACCAATTCAGACAGGAACATATTTTC  
AACCAAATGGCATTGCAAACAATCCCTTGACTCGGGTGCATTGTAGCCGAAATTGGAAGAAGGAAGCAAGAA  
GTGCTAATATATCTAGAGGGGTAGAAGAAGCCTCTTGTAAATAGTTCCAATATGGCTGCAAGAACATCAACCGA  
TGAGAGTCAACTGCAGTGCCTACCTCTAACGTTGATCCACAATTAGAAACGCCGTCACACTCGAAGACACCT  
GCTGATCAACCCGTCTCTGAAACAGCAAAAAAGGTGTTTGGTGAAGAAATTGGAAAGCAGATGCGAGAAAA  
AAAAAGAATTGAAGTGTGAGTTGATGTTATTCTTATCGTTTTACTATTGTAGTTGGGGGCTATCGCTTTTGT  
TCACATCTGGAATGAACGTTCAACTGTTGACGAAGACACCTTTGAAGGACTT

>trans\_c\_4448 NM\_116153|Arabidopsis thaliana ATOEP16-4; P-P-bond-hydrolysis-driven protein  
transmembrane transporter/ protein transporter (ATOEP16-4) mRNA, complete cds

ATTGAGAATTGGAAGATGGAAGACGAACTCAACGGCGTCGTTCTTCTTCCCTCGCCGTCGAATCCAGCA  
TTCGCGTCGGAACGGCCGGCGCTCTATGGGGTTTGTGTTTGGGTCCGTACAATCCCGTAAAAATGGCCTCAG  
TGGCGTCAGCCATGCTGCTTCGTGGCAAAGTCTGTTGGAAAAACGGCTTCAATGTGGACTTGTTGCTGGA  
ACTTTTACTCTGACTCACTGTGGGATTCAAAGATATAGAAGGAGGAATGATTGGTTGAATGGTTTGATCGCTG  
GTGCAGTCGCAGGAGCAGCCATTGCTACAAAGACTAGGAGTTGGTCACAGGTAGTTGGGATGGCTGCTCTTG  
TCTCTGCCTTCAGCGCTGCTGCTGAATATTCAAGATCACTTTAGAAAACCTCTGTAGGAACGGATTGAGCAAG  
TGTCTCTCATTATTCAACAAAATTGTTTGCTGTGTCGAGAAAGGTTTGTCTGTATCTGTTGAAGGAGGGAACG  
TAACCTCGTCGTGCTCAATAGGATTCGATCTTCATGATTGCAGCTAACTTCTGGGGAGTTAAAGCCGGA  
AAGATTGGGGAAGTAACCTTACCTTGATGTATAATAGCCATGAGCAACTGCTGTATAAGAAGATGAAACAT  
CATATACAAATAGTTGATATTCCATTTCTTCTTTAGTTTTACTTCTACCGAACTTATATCATTTTGTTCAGTT  
AACTTCTGTTTGGATCTNCACTTTATGAGAATCAGTTCTAGAATTACA

>trans\_c\_4449 Novel Gene

AAACTAAGATCGAAGACCCACACTTCTTCACCTCCTTCTTCTTTTCAACCCTTCTTCTTCATCTTCTTCATCTT  
CTTCATCTTCTTCTCAATCCTCTCTCTCACCAACCTCTTCTTCAACTTCAATTTCAAGTTGAAAATGGGAAGCAA  
AGCACCAAGCTGGGCTGATCAGTGGGGTTCAGGAAATTACGGAGTGGAAGACGACGACAACAACAATGCGG  
TCACAAAGAAAGGGAGCAGCAATGGGAATAGTAGCAAGAAGATGGCAGAGGTAAAGGCTGCAGCTTCAGCT  
GGATTTGTGAAGGCAAAGGCTGTTGCAACTGTGGGTGCTCAAAAAGTGAAATCTGGAAGTTCGGTAGGCATC  
AAATGGGTCAAGAATCAGTACCAGAAAAAGGTCTCAAATGACTCAAATATGTTTAGGCCTCTCCATTTTATT  
TTCTTTTATTGGTCTTTAAATATAGCTTTGTAGTCTGAAAACCTTTGTAGTCTTTTTTAGTTTCTGCATTTTGT  
AAACTCTTTTCCATAAACTTCAAACGACAAATGAGATATCATATCATAAATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCC  
CGGCCCTCAAAAATAATCAAACCCGCCAACCCGGGGGGGGCCGGGACCCCAATTCCCCCTAAAGGGAG  
CCAAATCCCCCCCCCCCCGGCCCGCCTTTTAAACGCCTGGCCGGGA

>trans\_c\_4450 NM\_123945|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L11 (RPL11D) (AT5G45775)  
mRNA, complete cds

GACCCGCCGAGCTTCGTTTTCTGCTCTGAACTTCGATACGGCAAAAATGGCTTCAGAGAAGAAGCTATCTAAT  
CCTATGCGCGATATCAAGGTCCAAAACTTGTCTCAACATCTCCGTTGGCGAAAGTGGCGATCGTCTTACCA  
GAGCCGCCAAGGTGCTCGAACAACCTCAGTGGCCAATCTCCAGTCTTCTCAAAGGCACGGTACACCGTTCGGTC  
GTTTGGGATCCGTCGTAACGAAAAGATTGCGTGTTATGTGACCGTCAGGGGCGACAAAGCAATGCAGCTTCTT  
GAGAGTGTTTTGAAGGTTAAGGAGTATGAGCTTTGCGTCGTAACCTCAGTGATACTGGCTGCTTTGGTTTTG  
GAATTCAGGAGCATATTGATCTCGGAATTAAGTACGATCCTTCTACTGGTATTTATGGCATGGATTCTATGTT

GTTCTGGAAAGACCAGGTTACCGTGTAGGTCGGCGCCGTAGATGCAAATCAACTGTTGGAATTCAGCATAGA  
GTCATAAAGAGGATGCCATGAAGTGGTTCCAAGTCAAATATGAAGGAGTCATCCTCAACAAGTCTCAAAATA  
TATCCTAGAAAAGTTCTCTACTTTCTTTGATAGCATGTTCAAATTTTGGCAATATGTTTACTTGTTTTAAGATT  
TTGTTTATCAGAACTTCAATATCTTGTTAAGGAGCGTTTTAGCCTTTCTATTTATAGAGTGCTTCGTTTCAAC  
TCTTTGGCCGATTGAAAGTTAATACACTTTTTGTTAGCTGAAAAA

>trans\_c\_4451 XM\_002865443|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glucose-6-phosphate isomerase,  
mRNA

AAACTAAAATACTTCTGCTTTTGCAATTCCCCATCGCCGTAATCCCCCAATACAACATTCTTTCATCTCTCTCAG  
GTGATTTCTGATTGAAATGGCTTCTTAATCTCTGACACCGATGCATGGAAGAATCTGAAGGCTCATGTTGAG  
GACATTAACAAGACCCATCTACGTGATTTGATGAGCGATGCTGCCAGATGCAATTCCTTGATGGTTGAGTATG  
ATGGGATTTTGTTGGATTATTCACGACAAAGGGTCAACTCTGACACCATTGGAAAGCTCTTCAAATTGGCAGA  
GGCGGCAAATCTCAAGGAAAAAATTAATCGGATGTACAATGGGGAACATATAAACAGCACAGAAAAATAGGG  
CAGTCTGCATGTTGCTCTTCGTGCAGCTAGAGATGCAACAATACAAAGTAACGGAAAGAATGTTGTGCCTGA  
TGTTTGGAACGTTCTTGATAAGATTCAGGATTTCTCTGAGAAAGTTCGCAATGGTTCTTGGGTTGGAGCCACA  
GGAAAACCTTTGAAGGACGTTGTCGCTATTGGCATTGGTGGCAGCTTCTTGGGGCCTCTGTTGTGCACACTG  
CACTTCAAACAGATCCAGAGGCTATTAAATCTGCAGAAGGACGTCAATTACGTTTTCTGCTAATGTGGATCCC  
ATTGATGTGGCAAAAAATATCACTGGTTTAAACCCTGAACTACTTTGGTTGTGGTGGTTTCAAAGACTTTTAC  
CACTGCTGAACTATGTTAAATGCCCCGACACTAANGGAGTGGATTTCTGC

>trans\_c\_4452 AY338256|Pyrus pyrifolia synptobrevin-related protein mRNA, partial cds

AGGGTAATCGAGATGGAACCTTAACATTTAAAGCCGGGACAGACGGACAAGATAATGATGAGAATCAAGGCA  
ATGATAATACCGAGAACGATCAATTTTATTTTCATATTCTGAAACCACATCTTCCTCCTCATTTTAGTCCCTGTG  
TCCTGAAATCCTGAGCCTGTGAGCGGAGATTCTCAGTTTTATCCACTAACAACCTCGATTTTCTCACCTCGATCAA  
GAACCTTCTCGATGTTTTCCATCATAACACCCTTGACTTCAGAAACCTGTGCCTTAACCTTAGCAAGCTTGCTGA  
TCTCTTCAGGATGATCCAAACAATATTGCATGTGCTCCTTTAACTTTGATCCAAATTCTTTGTTGAGACTGTGGG  
CAACAGCAGTTGCAGCTTTCCCCCACCATATCTTGTGAAATCTTCCTTGACTCGCTCAAGAAAGGCAATG  
GGAATTTGTCTACCAGCAGCTTCAACAGCAACTACACAATAAGTGAATCCATTCTCGACGAGATAATTGAAGG  
TGTGGCCATCGCAATTGTAGGTGAACCTGTTGTTTGAAGCGGGAAGCTTCTGGAGGCATTGAGAGGCGATGC  
TAGCGAAATTCCTGGTGAACCTCGTATACTCAGCGAGGATCACCGTTCCTCGAGCCACAAAGCTGTAGATCAA  
CGTTTGTTGCCCCATTTCCAAAAGAACCCGGAAATTGGTGTTCCTTCAAATTTTGTGTTGAGTGCGCGGGTATATA  
GAGCGAGACGGAAATTTGGGGTTCGAAATATTGGAGGAGAAAGAG

>trans\_c\_4453 NM\_001036714|Arabidopsis thaliana CAT2 (CATALASE 2); catalase (CAT2) mRNA,  
complete cds

ATATCCTTCTTCCCTTTTCTCTTCTCCTTGATCGTTTTCTTCTTCCACGTTCTCCAACCTTACTCTCTCGTCCTT  
CTTCCCTTCTCCAATGGATCCTTACAGGCACCGACCTTCAAGTGGTTACAACACCCCTTTCTGGACTACGAATT  
CTGGTGCAACAGTGTTGGAACAACAACCTCTCGTTGACCGTTGGACCCAGGGGTCCTATTCTCCTTGAGGATTA  
CCATCTAGTGAGAACTTGCTAACTTTGACAGAGAGCGTATTCCGGAGCGTGTTGTCCATGCTAGAGGAGCT  
AGTGCCAAAGGGTTTTTTGAGGTGACTCATGATATCTCCAACCTTACTTGCGCCGATTTCTTCGAGCCCCTGG  
AGTTCAGACTCCAGTTATTGTACGTTTCTCACTGTTATCCATGAACGTGGCAGCCCTGAAACACTGAGGGATC  
CCCGAGGGTTTGCTGTGAAGTTTTACACCAGGGAGGGCAATTTTGATCTTGTGGGCAACAACCTTCCCTGTATTT  
TTCATCCGTGATGGTATGAAATTTCCAGACATGGTACATGCTCTCAAACCGAATCCCAAGTCCACATTCAGGA  
GAATTGGAGAATCCTTGACTTCTTTCTCACCATCCCGAAAGTTTGAACATGTTACATTCCTATTTGATGATAT

TGGTATCCCACAAGATTACAGGCACATGGACGGTTCAGGTGTTAACACCTATACTCTGATTAACAAAGCAGGG  
AAAGCACACTATGTGAAATTTCACTGGAGGCCTACCTGTGG

>trans\_c\_4454 BT014998|Arabidopsis thaliana At5g20165 mRNA, complete cds

AGAAAAGTTGCCATCAGGTCGGACTCGTCAGTCGTCTGAACCGCGGAATTCTCAGCCGGGAGTTGCTCGCCG  
CTACTCAAAACCTCGGTTATTGGGAGGTCAAGAAGTTCCTTTCTCTTCTTTTCATTTCCGAAGGATTCCGAT  
CTGACAATCTCTCGGGACTTGAGTAGGACCCCTGCTTTCTTTTCTTAATCTCCATTTCTGCACCTTCGATTGAATT  
GAAAGAGGATTGTTAACGTGATTAATACCTGGCACTTTGAACATGTCGGCTCTGTTCAATTTTCATTCTTTCTG  
ACAGTTATTCTTCTGGGAATTTGTACCTGTACCTATGTGAAGATGCATTTTCCTGCTATTCTTGAGCAAGAAAT  
GGGTTCCGTGGCTTCTTTTGAAAGCAGCCAGAATAGGTGAACGTTTGAGTCCTTGGGTAGCTGTGGGATGTT  
TCTCAATGGGAGTCTCAATAATTTTCTTCTGAGCTATGCCTATATTCCCTTCTGATTTATTTAGCATGTCGTGCGT  
TACAGTCTTATTTTAGCAAGAGGGCTTTTGATATTAGAGTTCTGTAGTGACATGGTTGAAAGCTGTTAAATCC  
ATTATTACACGAGCATTCCATTACAAATTGTTTTGTTTGTATGCAGTCTCAGAAATTTAGAAAGGTAGATCAT  
TGCTGTGTTACTTTTTTCAGATTCTTATTAGAAAGCAAACGAGATATTGTTGTTAGTTGGTCACATGATGGACA  
AACACAAACCAAATTTGGAAATTGTTTCACTAAAAAAA

>trans\_c\_4455 XM\_002889451|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata leucine-rich repeat family protein,  
mRNA

TCTACGAGCAATGCATACACCAAATGTTTATGGACCGGAAGTAGATATTTGGTCGTTTGGATGTCTGTTATTG  
GAACTGCTGACCTTGACAGATTCCATTCTTGGGGCTTACAGAATTGCAGATCTTCGATCATCTTCAGATGGGTAA  
AAGACCAGAATTGGCAGGCGACCTTGAGGAGGAATTGGGATCGATAAAGGAAAGCTCAATGTCTCAATCATC  
AGTTCAAGAATCAGAGGGTCAAGAAAAAGACCAAGAACTAAAGCCCTGTTGATTGACCTGTTCCGTAAGTG  
TACTCAAGAAAACCCGAATGACAGACCAACAGCTGAAGAACTCCACAGAATTTTGCTGGAGCACACAGTCAA  
AGTTAAATCTTTACAAAAGCTAGATACATGAAATTAATACCCCGACCACCCATAACCTTATTCCAAATTCTGAA  
GCCTTAGAATGATTGTATTAGCTTTCCCGAATCCTTATGGTAGAGTAGTAGTTGGGCCTTTGCCCCAGAAAA  
TCAGTTAGGCTCACATATTGATTTAGGATACAGTGGGTAAAGTAGAGTCAGGTAGATTATCTAATCGCAATGTA  
ATTAATCAACAAATTTCTTAGGAAAATTTATCCACGTTCAATTAGTTGTGATGCAGTTGTGTAAAGAAAAAC  
TTGAGGTCATTTAGAGAACGTGGGAACCTCATTAGTTGCTGTACCTCATTATTGGCTCCAACATAATCTTATAT  
TATCAATTATTTCCCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4456 XM\_002882948|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

CAGTACAAGAACATGCTAGGAAAGATGTTAATGACTTAATGAGTGGTTTGTCCATTCATGAAGATACCTTGAA  
GAGCAAGGATAAAGGAGATTCTAAGGATTCACTGTCTGAATCTTTATTCTCGGCTTCTGGTCAACCCAACCATC  
AGAATCCGGTTTCTCAAGATTCTTTAAATGGCATCTACAGTTCACCAATGGCTGGGACAAATATGAATGCCGC  
ATTTTCCCTGGAATGACTTATCTTCCCTCAGGCATGATGTTCAATCCAGCCTTTTCTTCTCAGCCAATGGCTTAT  
GCTGCCAGCGGAACTTCTTACTCAACAACAATTATTATCAGCCATGTCCAATTACCAACAGTTTGAAACCC  
CAATCTCCAATCAAACAGTGGTGGTGGTGTAGGTAGTGGAGGATATTCGTCTCCCTTCCAGACATATTCCAG  
CCGAATCTTGCAACAAATCATCTACTTCTGTGATGAATAGTTCAAAGAAGGAAGATACCAGGGCGTTTGATT  
TTATCTCGGACCATGTTGCAGCTGCTCGAGATCCAAAGCGGGTAGTCTGAATTTAGGAGGCCATGTTCTCACT  
ATCAAGGTACTTAATAATCATTGTTGGCACTTCAGTGAAGGTGAAGAACGAAAACACAGTTGTTTCCGATT  
TGAGACGTCTGGCTATCGTAATGCCGATGGTTCCAAGGAATTGCATCACAATGCCATATGATACAAAATGAG  
AAAATGCAAACACAGTCCTTAAGTTGAAGAAAGATGACTTTCTTTTAC

>trans\_c\_4457 Novel Gene

TCGTTCTATTACTTTTTATCTTCTCTCTCTCTTTCTGTTTGTTCTCTTTATATCGTGGTTGCTAATCCAAATTCG  
GAGGGAAACGGGAGACGAGGGAGTGCGGGAGTTGATTACAGACGGAGACAGCGCCCCGCCTTTGTCCTTTT  
CTTCTTCTTCTTTTGTCCATTACTTTGGTGTTGCCGTGTGGCCTCTCAGATCAAGTGAGTTGTTTCTGTTCTCT  
TCCGGTTTTTTGTTTTTTAATAATTTCTAGCACCTCATTCCATTCTTTTCTTTTGGAGATCTTTATCTAGACA  
TTCATATTTTTTTTTCTGTAGTAGGAAACCTTTTTAGCGTCTTTGCGTTACTAGGTATTTGTTCTTTTCTAAT  
CCGCACATGGGTTTCTTAGATCTGGTCTGAAATCACCATTGTTCTTTACAATATGTTTAATTGAGGATTTTGT  
GAGGTCTGGGGAGTTCGGATAATGCCAATTATTTGCTCGCCCTATTTATAACAATCTGACACTATCGAAGGAT  
GCCTTACTTTTTCTATTCTCTTCGTGTCTCATGATAATACCCTTCTACTGTGTTTAAGATCTGGAGAACTGAAT  
ATTGTTGAGGCTTTCTTTGAAATTTCTTAAATGATTACCAATTCGTTGTGTACCAATGTTCTGCAGTTTTCCCCC  
TTCTAATTTAGTCAAATTTAGAGTCAAATCCAGGAAAATTGATTAAGGACGTGATGGGGAAGACTATAGTT  
TGACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4458 Novel Gene

AGAAATTAGAAAGGAAAAATCAAAGCGATTGAAGAAACAAGGCAAACGGATTGCGACTTAATTCATCTTCTTCC  
CAATTTGCTCTCAATTTTTTCCATTTACTGTTCTTCCACTTCCTCAAGGGGATAAGTCTTTATGGAAGGAGTT  
GGGGGCGACACGGCATCTGCAGTAGCACCTCTGGCTAAGTGGAGAAACGATTTTGCTAGAGCATTTCAATATT  
ACTTGGATCGATCCACTCCTCACCCCGTCCAGAGGTGGTTGGGAACCCTTCTTGTGCGCAATTTATGTGTTG  
CGTGTTTTCTATGTTCAAGGGTTTTATGTTGTTTCTATGGATTGGGAATCTATATCTTGAATCTCTTGATTGGG  
TTTCTTTGCCCCAAGGTTGATCCTGAGCTCGATGCTTGGATGGAGCTTCCTTGCCTACCAAAGGTTCTGATGA  
GTTTAAGCCTTTATACGCCGGCTTCCGGAGTTCAAGTTTTGGTACGCCATCACCAAAGCTTTTTGAATTGCGT  
TCCTCATGACCTTCTTCTCGCTATTGATGTTCCGGTTTTCTGGCCATTCTTCTTGTATTGGATTGTTCTATTT  
GTCCTGACAATGAAGCGCCAAATCATGCACATGATCAAATACAAATACATTCCTTTCAGCATAGGAAAACAGA  
GATATACGGGAAAGAGGTCTTCTGCAAGTAGCAGTGGCGCTTCAAGAGACTAAAGTTACATCATTTCCCATCTG  
GATAGTAGTAGACAGAAGAAGTGTGCAGCACTCCCAACTCTTC

>trans\_c\_4459 NM\_126129|Arabidopsis thaliana FAD-dependent oxidoreductase family protein  
(AT5G67290) mRNA, complete cds

GATTGATTGATCCTCCTCTTCTCCGGTAACATCGCCGGTGTCCATGGATACTCCCCGGGAAACTAGAAAAGTC  
GTAGTTTGTGGTGGTGGAGTGATCGGAGTCTGCACGGCTTACTTCTTAGCCAAGAACGGAGCGGCAGTTACT  
CTCGTCGAGAAATCTGCCATCGCATGCGCCGCTCGGGCAAGGCCGGCGTTTCTCGCTTTGATTGGTGCG  
ATGGTGGACCTATATCCGCCCTCGCTCGCGCCAGCTTTAATCTCCACCGCTCGCTCTCACAGGAGCTCGATGGC  
CCTAAATCGTACGGCTATAGAGCCCTAACCACTCTCAGCCTTACGATTTGGAATCGCAGAAACCTTCCACTCC  
CTCTAACTCCTCCTCAAATCCACCGCAATTCCGTCTGCTGCTTCTGGGTGACGGTCCAGTTCAGAATACGA  
GAACGATCGGAAACACCGAAACAACAGCACAAGTTCACCCACAGCTTTCACTCGTACCCTTCTATCCAATGCA  
ATGGAAAAGTACGGCGTGGAGGTTGTGATCGGGAAATTGGAGAAGCTAACGTTGGAGGGTGGCAGATTTCA  
ATCGGTGGTGTGGAGGACGGCCGAGTTATTAACGCCGATGCGGTGGTTCTTGCTTTGGGACCATGGTCGGG  
GAAGTTCGAAGCGCTATCATCACTATTCAGAGTGTATGGCCTGAAAGCACACAGTATAGTTTTGGAACCTAAG  
GAGCCGGAAGCCATAACTCCACATGCTCTGTTTCTAGGTTACTATCCGGCTCA

>trans\_c\_4460 Novel Gene

TTCTTCCATCCCATCCTTTCTTCTTCTTCAATTCCTTCTCCTTTCCACAAGGATTTTAGCATGGCTACTGCTGA  
GGTTGTAACACCGGACACAGCTGTCCAGAGGAAGCTACAGAGGTGGTGGAGGTGGAGGTACCAGCGCCCCA  
AGGTTGAAGAAGAAGAAGCTCCGCCTCCGGTGGAAGCAGATCCTCCAGCGGAGGAGGTGGCAAAAGAAGAA  
GACGTCACGGATCCACCAGCGCTGGAAGAGACAGAAACACCGGTTGAATTTGAAACCAAGGAAGTAGTTGTA

GAAGAAGAGTCGAAGGAAGAGAAGAATGAAGAAGAAGTAGTGGAAGAAGAAGAAAAGGAAGAGAAGAAA  
ACAGAAGAAGCAGCTGAGGGTGCGGTTTTGGAGGAGACAAAGGCATCGGAGGCCGAGACACCGGTGGAGG  
AGGAGGAGGAGGAGAAGGCCGTGGAAGTGGTGGAAAGAGAAGCCTGTAGAAGAAACAGAAGAGAAGCCAG  
AAGAAGAGGTTGAAGCAGAAAAGGCTGAGTAATTAACAGGATTACATATTATTGAGTGATGAAAAAAGTG  
AATGGAGGGTAGTTTGAGAAATTTGGTGTCTTTAAATTGTAGAGAGTTTGATTTTGTGTAATGTGAAAAGTGG  
TTGATTGAATGGGGATTGGGATGGAAGTGTATAAAGCTATAAAGGAGTATAGGGATTAGGGAACCTTTGTA  
TTTCTGTATCTTGGATGTCTGTTTCACAGTTGCAATTTGTTTTGCTAGTTTGTGTTATAACAACCT

>trans\_c\_4461 AY104951|Zea mays PCO082478 mRNA sequence

CTCCACTCTCTCATCAAGTTCGCCATCGCCGATCAGCTTCTTCAATCTTCAAGGCAGCAACTCGCAACAAAGTTT  
TCAAAGAGCATTGGAACCATGGGAGGAGGTGAACATGGACATGGGGAAGCTCATGGAGACTTTAGGGCTAA  
GGTTTGGAGCATGAGCGGAGGACCTTATTGCCGACCCAAGCATTGGAGACGCAATACCGCCATTGCCATGGC  
TGGCATCGTTCTCATCTGCATCCCTATCGCTATGAAATCAGCAGAGCTTGAGCAACGGCCACACCATCCCATT  
GACCAATTCCATCGCAGCTCTGGTGAAGAATTTTGAAACAAGGAGTACTAATTCTCTCATATGAAGATTGA  
ATGCATAGAATATGATGAGCCAGAACTGAGTTCTTGATTTTGCAAGTCAACTTCTGGATCTGGTAATTGCAA  
GACTAATTTTTCCAGTTCTTGGTGTATCTTTTCCAATCTACATCGATCTTGTGATGACAATAATAAGCCGCTGT  
TTGTTTTAATCACCCATATTAAAGTGTTCATAACGACCAGAAAGAAGAAATTCTGTCTAGTTTGAATTGTTCA  
AATTCAATTACTTTCTTAGTGTTTTAATATATGTTTCTAAACACTTAAGAATTGAAAAAAGATGATTGTTATGGG  
TAATAAAATGGCTTTGTTAAGAAATTTATAGGTCTATTGCTGATAGTTTATAAATAATAGAAGCAGACTTATTT  
TAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4462 XM\_002307967|Populus trichocarpa folylpolyglutamate synthase (FPGS1), mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGGACAAATAAAGATTATATTACCAAATCGCAATGATTTGTGCCTG  
AAAAAGAAGAAAGTTCTCTTTTCCATGTAATATTTACCACCAGAAAATGAGTACCAAATAACTTTAAATTA  
ATTTATTGAGGCATGAATTGAATGAACGAAAGAAATTGGGAAGAAACCAACCGACGGCAGATCCTTGGAAG  
TTTGAAATACCACATCCTTAACAATGGGGAGACCAGATGAGTTCATCTAAAACATCACCTTTTTAATAGTTTTA  
ACACGTCTCCAACCAGATGAAGTGATCCAGTGACAAGAACCTGTAGTCTAATGGATGGGGATTCTCGAACGC  
AATCTCTCAACCATTTTATCGCCAATGGCAACGAAGGCACCGCTGCGCTGCTACTCAAGTTGTTCTCCGAAAGA  
CTTGAGAGTGAATCTTCATACAGAGCAGGCAAAACCCGCTCACTGTCTAGCTTAAGATCCTTTTCTAATATAGC  
ATCCTTTCCATGCATAACCTTCTCCCAAAGTCTCTGTAGGTAAAGTTGCCATGACAAGTCCTTGCTTATATTATC  
TGATGGAGTCACTGAATTACCGGAAGAGACTTTGCTATATGTTGACATGGTACACACAAAAGGGCTTTCGAA  
AAATGAACACCTGAGGAAGCACATGTATTCACTAGTCGTGGAAGTAATATATGTGGGTCTCTCACTTCCATGC  
AATTGAATAGGAGAATCTGCTTTGATAACTTTGTGGACTCGGCTT

>trans\_c\_4463 AF039851|Glycine max ferredoxin-dependent glutamate synthase (glu) mRNA,  
partial cds

AAGTTCCATTAAGCATGCCGGTGGTCCTTGGGAACTTGGACTGACAGAAACACATCAGACCCTTATTGAAAAT  
GGACTTAGAGAAAGGGTCATTCTTAGAGTTGATGGTGGCTTCAAAGTGGATTTGATGTCTTAATGGCCGCGAG  
CAATGGGTGCAGATGAATATGGTTTTGGTTCAGTTGCCATGATTGCTACTGGTTGTGTGATGGCCCGCATATG  
CCACACTAACAACTGCCAGTTGGTGTGCCAGTCAGAGAGAGGAGCTGCGTGCCCGTTCTCCTGGTGTACCT  
GGTGATCTTGTCAACTATTTCTTTATGTTGCCGAGGAGTAAGGGGTACATTGGCCAGCTGGGATATGAGA  
AGTTGGACGACATAATCGGAAGAACCGAACTATTAAGACCCCGAGATATCTCTTTGATGAAGACACAACATCT  
TGATCTTGATTATGTTCTTTCAAATGTTGGATTACCAAATGGAGCAGTACTGAAATCCGCAATCAAGATGTTT  
ACACAAATGGTCCGCTTCTGGATGATACCCTACTTTCAGACCCTCAGATATTAGATGCAATTGAGAATGAGAA

AGTAGTAGAAAAGATGGTGAAGATATACAATGTTGATCGTGCTGTTTGTGGGCGTGTAGCAGGGGCGATTGC  
CAAGAAATATGGTGACACTGGTTTCGCTGGCCAACTGAACATTACGTTACAGGTAGTGCTGGACAATCATTT  
GCATGCTTTCTTACGCCTGGAATGAACATTCGGCTTGTAGGGGAGGCCAATGA

>trans\_c\_4464 Novel Gene

GATTTCTTTCTTTCCACCGCGTGGACTTACCCCAACTCAACTACATCAACGGTTACACAAAAATAAACTTCAT  
CGATTCCTTCTTCATTACAACCTTCTTTTTTGCTCCTTTCTTCCAATACAGTGATTCTTTCTGAGTTTTCTCTTT  
CCAGGACTGATCTTTGCAATAATCACCTTCTGGGGTTGTTCTCTTTCTCGTTTTCTCAATTTTTCGACCACTT  
TTGGATCGTTTGGTGGATTCTGTTGTTTTTGCCCTTTCGTCGTGGGGATTACTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGA  
GAAATTTGGATTTTCTTCCGTTATTGAGGAGGATGATTCTTGAAAGAGGAAAGAAGGTGAAGTGGGAAGA  
ATAAATTGTATGGATAACTTATGCTGCTTCAATTCTGTCTATTCTCAGTTTGTAGGAGGGCGTTCATCATGTAG  
CTCTGGAAGGGCAGGGGCAATCTATGCCCTGCCAGGTATGGCTTAGCCTAGTAAAGGCAAGGCAAATCA  
TCCAATGGAGGATTATCATGTTGCTCAATTTATTACCGTGCACGGCCGTGAGCTAGGTCTTTTTGCTATATATG  
ATGGACATTTAGGAGACAGCGTGCCCGCTATCTACAGAAGCATCTATTCCTAATACTGAAGGATGAATT  
CTGGTCAAATCCCCGTAGCTCCATCTTTAAGGCTTACGAGAAGACAGACCAAGCAATACTCTCACACAGTCCTG  
ACTTAGGAAGAGGTGGATCCACTGCCGTCACTGCAATTT

>trans\_c\_4465 BT023479|Arabidopsis thaliana At5g62820 gene, complete cds

GGAAGATCGCCGGTGAAGCAAATGGCGCCGATGTCGAGGAGGTGGAAGGATGATGCGTTGATGAAGGCGG  
CTTTAGGTTTTAGAGTGTGTGAAGTGGCGGTTTGTGTTGATTTCTTTTCGGTTATGGCGTCTGATAAACTCAG  
GGTTGGAGTGGCGATTCTTTGATCAGTACAAGGAATACAGGTAAGTGCCTCACTGTGAATATAATTGCTTTTCG  
TATATGCAGCATTTCAAGCATTTGATCTTGTCTTTACTCTAATCAAGAAGAACCATATGATACGTCATCAATTC  
GTTGTTATTTGACTTCTTCATGGATCAAGTATTGGCATATCTTCTCATATCATCGTCTTCCTCGGCTGCAACAC  
GTGTTGATGACTGGCAATCGAATTGGGGAAAAGACGAGTTCACGCAGCTGGCGAGCGCATCGGTCAGCATGT  
CCTTCCTTGCCTTTGTTGCATTTGCTTTTAGTTCACTTATCTCTGGTTACAACCTTTGCACCCGCGATCCTGCATG  
ATATTAATTAATAATCTCAAGCATGTTGTTTTTTTTTTTTTTTCAAAAAAGAGAAAATTTTCATATTGATTGTCAAT  
CCAAAATTATTATTATAATTTTTTTCTTTATTATGTTGTACAGAGATATCATAGCTAGATTGACCTTACAATAAA  
GAGGATACCAAATTGTATAATTATTGGATTGTTTTATTGCATATTTAAATATATAATATATAAAATGAAGCTT  
CTTTTGCTCTAAAAA

>trans\_c\_4466 AC007627|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F15F15, Chromosome V, complete sequence

GAATTCATACATATCAATTTATATGCATCTGATACAAAGCAGTATCAAGAAAGCAAAGCTATTAAGAAGCTA  
CCACGTAAGGCACTTCTCCATTGAATTTAATCTGTACTTATTGAGCATGACAAACAAAGTATGCATTATCAAG  
AAATCGTGAGCATGAAGCAGCTGGCTTCACAGTCAATCCATCTAATCTTGCAACCCCAAGCATTGAGAATTC  
AAGTATCTCTGAGGAGAGCGTAAACCTGAGAGATGCATGCAACTTGACTTTCTTGATCCGGAGGCAGCAGGT  
TCTAAGTGCAAGGTCGAAGCCTCGTACTGAGACTTTGTTTAGGTTTACGAGCTTAACATCCTGAAGGCATGTTA  
GGTTCCTCATCATGCATAATCCCACATCCGAGACAGCACAAGAGCTCACATTTAACTGCCACAATCAAACG  
AACAACCTCAGGTAGTGCTTGATCCATTTCAAGAAGCAAATACAAATCACGTAACATACTTCATTTAGTCTTTGA  
GAATGCTTGAGAGATGTTTCTTTTAAATGAATTACTTCTTCTATAAGGATTCCGAAAAGAAACAAATCTTATTA  
AATGCTTCCACTGAAAGCACTTTCAAGTATTCTCAAGTTAAAAAATAACTCCTGAAAATGTAGCCATATATTAT  
GAAAATTTAAAGTGTTTTAAATAGTATATTGAATAAACAATCCCAATACTTTACACGCTACTTTCTGGAAGGT  
AGGGATTACGCAAAAAA



>trans\_c\_4467 NM\_001065119|Oryza sativa Japonica Group Os06g0715400 (Os06g0715400)  
mRNA, complete cds

AATCTTAATTTTTCAGGTACACTAACAACCAACGCACCCCATCTTCTGACAATTCGATCTTCTCTTTGCTTCGT  
TTTTCCACTCTCAACTTCTTCCCCTTTTTCCCCTATTCTCGTTCTCCATCATCACTGTGATTCTCTCTATTATTTTG  
CAGTTCCTTTCTGGGTTTTTTTCTCTTTGTTTGAAAGCCTTCACTTTTATTAAGATCAGGATTTTGTAAAGTTCAG  
ATATGGCTACAGAGGAAGATCTTGATCTATCATCTTTGAAAATTCAGCTCAGTGAAACAAATGAAACTTGGAA  
GCAAGAAATGGAAAAGCGCCAATCAGAAGTAGATGTGTTGCAAGCAAAGCTTATGGAGGTGAAGGCTTCTAT  
AGAAGGGTCTGAGGAAGACTCAAGAAAGGAGCTAGAGGTTCTCTGGCGAAGAGTTAAGACAACCTTCTACATT  
GTTAACATACTTGAAATCAAAAGCAAGAATGTTAGCAGTTTCTCATTTGGCTCATTCTTCGTGTGGTATTAAAC  
ATTTAGAAGGGGTAGGATTGGTTGACAAAAGTGGAAACACCACTGTCTGGTTGGTCTAAAAGTATTGATCTTTC  
TTCATTTGATGGTACTGAAGAAGAATCCTTGATTGGTATTGGAAAGCCATGTGGATTACTAGATGAACAAGAT  
GCAGTTTATATCGGTCAAATACTCAAGTCTGTTCAGATGGTTTCAGATGTAATGGAAGCACTTGTCAAGAGGG  
TTATTTTGGCAGAATCAGAACTGCTGAAGAGAAGGAAAAAG

>trans\_c\_4468 HM235957|Galega orientalis Ca<sup>2+</sup>/H<sup>+</sup>-exchanging protein (CAX) mRNA, complete  
cds

ACCTAAATTTCAACATAATGGAAACAGGGTCACTTGGACTAGCAATTATTGCCACAGCCTTCACTTTACAAGAT  
GGAACCTCTCATTATATTAAGGCCTAGTTCTTCTTCTTGTACATTATCATTGCTGCTTGCTTCTTTGTTTCCA  
AGACACAAGAAGATAATAACAATGCTCCCAACTTGGGACTCCAATCTTCAAACCAAGCAATCTTCAGAGCTTA  
AAGGTTTCAAAAATATTCTCAAGTCAAAATCAAATTGGAAAAGAGAGGGACTTCTTTGAAATCTCATTTGTAA  
GAAGGACCCAAAAAATATCAAATGGATTATCATAAATTCTTTGATTTTTTCATGGCATCCCTTCCTGCTGGAA  
AGCTTAGAAAATTTGAAGATGTTGGGAGTTTAATGAAAGCAGTTTGTGGGCTAAAAAATTAAAGCATTCAAAT  
CTGCGGGTTTATATATGCATTATTTGTATGCTTTTATATGCATTGTTTATGTTTTTTGTTTTTAATTTTCTG  
TTTGTGTTCTTGACTTTAATTGTTGTAATGTAATAATTATCGGTCAAGTTTAAGTAATTAATGAAAAATTATAT  
CCTATTTTTTTGTTAGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAC  
ACACTCAGCCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCGCCCCCGCCCCCAAACTTTATAT  
ATCCCGTCAAACAAAGGGGGGGCCCCGGCCCCCATTTCCCCC

>trans\_c\_4469 DQ376126|Eucalyptus globulus subsp. globulus endo-1,4-beta-xylanase mRNA,  
partial cds

TGTTCTGCTTTGGACAAAATTGGAATTCTAGGCCTTCCAATCTGGTTCACAGAACTCGACGTGTCGTCCATCAA  
CGAACACGTAAGGGCCGACGATTAGAAAGTGATGCTTCGAGAGGCTTATGCTCATCCTGCAGTAGAGGGTAT  
AATGTTATGGGGATTTTGGGAGATGTTTATGTGCCGGGACAATTCTCATTTAGTGAATGCAGAAGGCGAGATC  
AACGAAGCTGGGAAACGATACTTGGCTCTAAAGCAAGAATGGCTTGACATGCAAGTGGACAAATCGATGAG  
AAAAGTGAATTCAGATTCAGAGGGTTTCAAGGAACATACGAGGTACAGATTGTTAATGGCTCCAAGACGACG  
TCAAAGACATTTATAGTGGAAAAGGGAGATACACCTGTGGAGATATCTATTGATCTGTGAAAGTAAACCAAA  
CCCACTGCTAACGCATGAAGCAGCACTGAGCATCCATTTCAAAGATGTGGGGTTGTACAATTAACACCTC  
CCCATCCTGTTTCTGCCATATACCAATCTGTAACATTCCAATTCAAACAATAAATACAGGCGTGTGTTTGT  
TGTTTTGTGAAGGTGGTGATGTTGCGTTGAACGCAACCATCCTTAATAACCTGTATTAAGTTGTGTGCCCAAT  
GAAGGAAAAAAGTATTGGGCTGGAGTAGGGTATAGGCCAAATGGGTGGGTCCACATAAATAAATGTTGAT  
GGATTGGACGAAAAGAGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4470 XM\_002874323|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata seryl-tRNA synthetase, mRNA

>trans\_c\_4471 XM\_002314406|Populus trichocarpa histidine phosphotransfer protein, mRNA

>trans\_c\_4472 EU490796|Musa ABB Group cold-induced plasma membrane protein (RCI) mRNA,  
complete cds

>trans\_c\_4473 NM\_127618|Arabidopsis thaliana RPN1A (26S PROTEASOME REGULATORY SUBUNIT S2 1A); binding / enzyme regulator (RPN1A) mRNA, complete cds

CATTCTGACCGATTCTTATTGGCACCGACTGCGCTTGACAGGATTAATAATTACGTTGCATGCATGTCTTGACAT  
GAAAGCCATTATCCTGGGGAAATATCATTATGTTCTCTACTACCTTGTCTTGGCAATGCAGCCGAGAATGCTGT  
TGACTGTGGATGAGAATCTTAAGCCTCTCTCAGTACCTGTTGGGTGGGTCAAGCTGTTGATGTCGTTGGACA

GGCGGGTCGGCCAAAGACAATCACTGGTTTTCAAACCTCACTCAACCCCAGTTCTTCTTGCTGCTGGTGACAGG  
GCAGAACTGGCAACTGAGAAGTACATTCCTCTTTGCGCAATCCTAGAAGGATTCGTTGTTTTACAAGAGAACC  
CAGAATATAGAGAGGAACAGTAGCAAGCCATTGTAATTAGAGGAATGGTTAAATCACTGCTGATTGATATCA  
ATTCTAACCAGCATGTTGCTGGACGGCAAAAAACATGATGCAGGATGCGGGGTTTCGAGTTTAGTTATGGCCAT  
CTTAATCTCATCCGAGCAGTGC GTTGTAGTTTTGATGAACAGCCATGAGTTCGGAAAAATGTGCTTGAATTGA  
TCTAATTAATGTTTTCATGGTGTTCTTATTTAGTTCCCATGACTCGGGATCTTTTTGTATTTGATTTTTTTTGGG  
AATAGAATCTCTATTTGCTTAGTCTAATTTGATGCAACTTCGATGTTGATTGCCCCACCTTGGCATGATATAAAA  
TTTTATCAATCTTTTACAAAAA

>trans\_c\_4474 GU732464|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D40)  
mRNA, complete cds

ACAGCACATGCAGCTGCTCGTGCTTACGATAGAGCGGCCATTAAATTCCGAGGGGTAGAAGCGGACATAAAC  
TTCAGCATCGAAGATTACGAAGACGATTTAAACAGATGGGAAATCTAACAAAGGAGGAATTTGTGCATGTA  
CTTCGCCGACAAAGCACTGGATTCCCAGAGGGAGCTCCAAATATAGAGGCGTTACGCTTCATAAGTGTGA  
AGATGGGAAGCTCGAATGGGCCAATTTCTTGCAAAAAGTATGTTTATTTGGGTTTGTGATACGGAGATTG  
AAGCAGCAAGGGCTTATGATAAAGCTGCAATCAAGTGAATGGCAAAGAAGCTGTCACCAATTCGACCCCA  
GCATCTACGAGAATGAATGAATCCGACAACCTGAATCAAGTAGCAATTTGGGGGATCATAGTCTTGATTTAAG  
TTTAGGGAATTCAGCTCAAAGCAAACGACAGCTCAAATAATGGTTCCATAGGTCCACAACACCATTCTTCTT  
CTTCTTCTCAGCTGATTGGCAACGCAATCACGGATTTAGGCCTCTTCAGCTAAATTTGGAAAATGGAGGAGG  
AGGAGGTGGAAACAAGAATTACAATAATAATGTAGAGAGAAGGAATCGGTACCTGGAGAGTGAAACCATGC  
AGCTGCTGAGCCAAACACACATTCAATCTCCATCTCAATTCAGCCGCCGCACACGGTTGGTGGTGCACCAGA  
TCATCACCCCCACTCCCAAATATTGCTTCACAATCACAATAATCAAACCTTCAATTA

>trans\_c\_4475 BT025592|Arabidopsis thaliana At4g15800 mRNA, complete cds

TCCTCTCGAAACCAACGGGACTTTTGTATTGATCCTCCAAAAAATGGGAATCTCACGCGTTTCTTCTCTCTCT  
TGCCGCCTTCTCATTATTGCCGCTCATTTTCTCGTCTCCATGGCGGCTGCCGTCGATTTCTCTGGCGACCACAA  
GCTTCTCTTCTGTTCCGACCACATCCGATTTCTTCAACGACAACGATGATTTTCGGTTTCGGAATGGAGTTCCAGA  
TGGACTCTGAGATCAATCGCCGAATTCTAGCGACTACTCGTTACATAAGCTACGGTGCTCTTAGGAGGAACAA  
TGTTCTTCTGCTCTCGTCTGTTGCTTCTTATTACAACCTGCAGACCAGGCGCTCAGGCGAATCCTTACTCCCGTG  
GTTGCAGCGCTATTACTCGTGGCGAAGTTGATTTCTGATCACTTGATTCATTTTTTGGAAAGTTAGATTCGTCGT  
CGTACTCTATCGGTTAGTTCTTCTGTTGTTAATACTGAATATACATGTCGATCGAGTAATAAAATTCATATATAT  
ACACTGATGGTTGAAAATGTAATTTAATTTACATCTCTGTTTTCTCCGAGTCCTCTACATGATTTTTTTTTTCTT  
TTTTCTGTTGCTGATTCTTCTGGTTTATTTCCGAAATCATTTGTTCTTGTGTTGGAATTGGTAATACAGTGGTAGGA  
AGGAACAGATTATTTGTGTAAATTGCTGGTGGATCTTGCTGAATTTGCAAGGCCTTAGACCATTATTATTTTGA  
GTCCAAAAA

>trans\_c\_4476 NM\_117129|Arabidopsis thaliana CID12; RNA binding (CID12) mRNA, complete cds

ATTTCTATTTTGTCTGGGAACGCCAAAGCCAAAGCCAAAGCCAAAGCCAAAGCCAAAGCCAAATCCGACGATC  
TCAACGGCGACCTAACCAACAGGGTTTCTCGTTTTTCATTCGATCCTCCTTCAATTTTCTGCTCTTTTAC  
TTCCTCCAATCCACCATCTCCTGCTGGGTTTCTTGTGTTACCAATGGAAATGTATTGATAATGATAACCCCCGCC  
CGCCCCGCCGCCCTCAGTATAAGATTGCCAAAACAACCATCTTGTTGCATAAAACCTCTCTCGCATCATGGCG  
GTTGCTGAGAATGTTGGACCCAAATCGGCTCTCCAAGACAACTTTGGATAACACCTTGGTTTCTCCGATTCTC  
AAATGACCCCAACATGTTGAAAATCAGAAGCCTATAAACGATTCTACACTTCGATTAATGCAGATTCCGACT  
TTCATCCAAACCCCAATGATCAGAATTTGCAGAACAAAGGTACATCTTCAGGACAGAGCTGGTGCCGCAACTTC

TTTTCACTTCCTTCCCCCAATTTCAAGCCCCAAATGGATGAACAGATGCAGAACGGCTTTGAAACTAATCCCC  
AGTCGTTGATGGTGAACCTCTGCTTCTGCTTATGGGATGAATCACAGGCCTAACGGTGTCTTAATGGAGCCGA  
TGGAGGGGACACCTTTAAGAGAGATATGAGGGATCTGGAGGAGTTACTGTCCAAATTGAATCCCATGGCTGA  
GGAATTTGTCCCTCCTTCACTAGCCAAAAAATTTTCTGTTAC

>trans\_c\_4477 tpg|BK004859.1||TPA\_exp: Oryza sativa (japonica cultivar-group) growth-regulating factor 4 (GRF4) gene, complete cds

AAACCGAAGCGAAATTGCGAGCGAACGAGATATGGAGGAAGAAGAGCACGAGGTATACGGTGGAGAGATC  
CCACCTCCGGCACCTACGACTATTACTCTCCCCCTCCGCCGCCAGCTCAACCCACTTACACATACTCTCCCCAC  
CGCCGCCGCGTGGAATCATCGACCCGGCGGATACTACCAACCTCCGCCGTATAATAATTACCCAGCTCCCCC  
GCCCCGAATCCCATTGTCCCGTATTTCCATTTTATTACCACACTCCACCGCCGGGCTCTTCCGCCGCCGTCGG  
CCGTTTGACGAATTCCTTGCCTTGCTCTGTTCTTACCGTTGCTCTGTTTTCTTTTACTTGTTTTGTTTTAAATGC  
AAATAACAGCAGACAGAACTTTCAATAATGGCGGATTTTGCAGATCTGGGAAATTGATGGAGCTAAATGAG  
AAAGAGAAATTGAAGAAAAAAGAGGGGGGTTTCGATCTTCGAAGAAGACGATGAGAAATTCGCTTCAA  
GAATTTGCATTTTGTGGGGTAAAGAAATTTCTTCTCATCCGGAAATTTCTCAAAAAATCTCTTCTTTCTTAC  
TTGACTCCATTGTTATTAGATTGATTTGTAATCTGCTGATTATATAAACTGTATGTGTTTTACTTGATTCTT  
TGCTCAATTCCTCAAAACAAGAAAAAACAAAAACAAATCTGTATGTATCAATCTCTTGTTTATGT  
TTGTCATTTTCATTATATTTTTTAAGAACTAAATAACAGTCT

>trans\_c\_4478 DQ450842|Solanum chacoense SWIb domain-containing protein (SWIb2) mRNA, complete cds

GGCTGGTCTGCAACCAGCCACGCCACCGCTCGTCTCTTCCGACGCCATCTCAAGGGGCTGCAGTCGGTAAAC  
GCCCTTTTCCCTATTCTGTATCTCAATAGGTTCTGTTCTGTGAGCTCCATCCGATCGCCGACATTTAGATCAG  
GTCCGCCCTGGAGTCTGCGGTGTGCAAATTGATTGCCGTCAGAAGCCCCTGCCGGTTGCCGAAGTTTTGAAT  
TTTGGTGGAGGAACAACTAGTTGTGCACAAAATGACGATACGACGGATGAAGATGGCCATGACAGATAAC  
CCAAAGAAGCTCGAAACTTGATTGATCTCGTAAACCTTCCTTCAACTCTCAGGGAGTTTGTGGGACAGTCCCA  
AATTTCTCGTCTTGATGTTTCAAGTGTGTGTGGTCATATATTAACCAACAACCTTCAGGATCCCACCAACA  
AGAATGTGGTCGTTTGTGATGAGAAGTTAAAAAGTATATTGCTAGGCAAGCCCAAGGTTGAACTAGCCGAAC  
TTCCTGCACTGATTAAATTACATTTCCCCAAAAAATCCCAAGTGAGCTATGCTTGAGTTTAGCCTCTGGCAGCT  
CGGAATGAGGTCTTCAAGTCAGTCGCCAATGGTTAGAATGTTTAGCCTCAATTTGTATAATTGTCCTACTAGG  
TTTTTTTTTACTATGTGTTAAATAAACCTTCAACGCTACTTTTGTCAATTTTGGTTCGTATACTTTTAAG  
AAAGATTTAGGTAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4479 AY112530|Zea mays CL5251\_1 mRNA sequence

AAAGCCTGGACCTCATAAAATTCAAGGAATTGGAGCTGGTTTTATACCCAATAATTTGGATGAAAGTGTAGTT  
GATGAAGTCATCGAGATAACCGATGAAGAAGCTGTTGAGACGGCAAAACAATTGGCAATGCAGGAAGGCTT  
ACTGGTGGGTATTTCTCTGGAGCAACAGCAGCTGCCGCATTGAAAGTGGCAAAAAGACCTGAGAATGCTGG  
AAAATTGTTGCGGTTGTATTTGCGAGCTTTGGCGAACGATACCTATCCTCCGTCCTTTCCATTCAATCCGAG  
AAGAATGTGAAAACATGCAACATGAGCCATGAAGTACCATTTAATTAGACCTTCACAATTCATCACACCAATG  
CAGGAAGGAATATAAGTGAATGGGAGACCACCGAAGCTGGGCTGGGCCAAGTGATAGGTTATTGTTGGTT  
GGCTTTGTTTATTTGGGGTTAAGACCCATAGTTATTTGGTGTTTTAAAGGTAGGCTTTATGTTGGTGCAATTT  
GAATAACGTGTTATTTTGTGGAGAGAAGAATATCCCCTCTCACATTGACTGCAGTCTATGCGACGTTTGGAT  
TTTGTAAGTCGAACACTTGCAAATTTCTTCTCAATAATTTAGTAACAATAATAAGGCTTTCAGTGGTCATGTTTA

TTTGTTTATTTATTCTCTTACGACAATAGCAAGGTTGGAGGAACAAGTCTCTAACTTCTAAAATGAAAGATTAC  
GAACTTATCGTCCTTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4480 NM\_100397|Arabidopsis thaliana emb2394 (embryo defective 2394); structural  
constituent of ribosome (emb2394) mRNA, complete cds

ATCTTCTTCGTAATCGGACCCAAAGTGGGTCTCTCTCGCTCTTTCTCATTTGGGTGTTCTGTTCTCACACTCGTA  
ATGGCACTCTCTTCTCCTCTTCTCTTCAACCTCCAAGTTTGATACACTCACCTAACAACTTCGGTCTACATTTT  
TGGGAGAAAAAATGGGTCTGTGTTTCTGCAATGCCTGTATGTCATATTGGTTTGTGAGGAAGACTATAGA  
ATGCAAGGAATCACGAATAGGGAAGCAACCAATTCAAGTGCCATCCAATGTTACCATCACATTGCAGGGTCAAG  
GATTTGAAAGTTAAGGGTCCTTTAGGAGAACTTTCAATTCTTTATCCACGAGAAGTTAAAATTGAGAGGGAAG  
ATTCTGGGATTATAAGAGTTAAGAAAGCACTAGAGACAAGAAGAGCCAATCAAATGCATGGACTTTTCAGGA  
CGCTTACGGACAACATGGTGGTAGGAGTATCGAAGGGGTTGAAAAGAACTTCAATTGATCGGCGTCGGTT  
ATCGAGCGATGGTAGAAGGAAAAGACCTGGTATTAATCTTGGGTCTCTCATCCAGTTAGAATGGCGATACC  
GGATGGGATTAGATAAAAGTGGAAGAAAACACAAGAATTACAGTGAGTGGATATGATAAATGTGCCATTGG  
TCAGTTTGCTGCCTCTATTAGACAATGGAGACCCCCAGAACCTTACAAGGGTAAAGGAGTGAAATATGCTGAT  
GAAATCGTAAGAAGAAAAGAAAAGAAAACAGGGGAAGAAAAAGTAATGG

>trans\_c\_4481 XM\_002312928|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T1.2), mRNA

AATCTTATCCTTTCCTTCATTTTCATTACCCTTCCGTTTCCCTTTTGTCTTAACCTCAACAGATCGCTATTTCTTCT  
TTTGGGAACAAAATTAATCGCCCCCTCTCTCTTTGTGGGGTTTTCTTCTTCTCCTCTCGGTTCTTTGGTCT  
GTAATGGAGAAGAGAGGCTATTCTTAAAAGGGATTCTTCTTTTTCTTCTTCCATCTGTTCCCTTTGATTTCT  
TTTGAAATTTGGTGATTTGGGTCAGTTTGAAAACGGATTTTAGATGGGGTTGCTTAGTAGTATACTGGGTTTTCT  
TCGGTTTTGGCTTGGGAACCTTCGATTGGGCTTGTGGCTGGATATTACATGTTTCTATTTTCAGCCATCAGAT  
GTCAAGGACCCTGTTGTTTCGCCCTTTGTTGAGCAAGATACTGCCTCATTGTTGCGGATGATGCCAGAAATAC  
CTCTATGGGTGAAAAATCCTGATTATGATCGTGTGACTGGCTTAACAAATTCCTTGAAATTATGTGGCCTTAC  
TTGGACAAGAACAAATTCAAAATACAAAATTGATGCCGTTGAATTTGACGCTCTAACATTGGGCTGCTTACC  
GCCAACTTTACAAGGAATGAAAGTTTATATGACTGATGATAAAGAGCTGATCATGGAGCCGTGTATGAAGTG  
GGCGGGAAATCCAAATGTTACTGTTTCAGTGAAAGCATTGGATTGAAAGCGACAGTTCAGGTGGTTGATTTG  
CAAGTGTTTGCTAATCCCCGTATCACCTAAAGCCTT

>trans\_c\_4482 NM\_122401|Arabidopsis thaliana AtGDU5 (Arabidopsis thaliana GLUTAMINE  
DUMPER 5) (AtGDU5) mRNA, complete cds

CAGACCTAATAATTTCCATTTACCTTTTTAATTCCCTCTTCTCCTTTCCATTTTCCCCAAAGAGAGATTTTC  
TTCAAACAAAATAATATCAATGGAAAGCATCTCTCCGTCGGCACAATACTATTGCCATCGACCAGTCCGAAC  
ATGGCAGAAAGAACGCCGTGGCACTCGCCCTTGCCGTATCTCTCGGCGGCCTTGCGGCGATGCTGAGCCTAA  
TCGCCTTTGCGCTTGTCATTTTAGCCTGTTCTTACTGGAACCTCTCTCGGCGAGACAGAGACAACGCTGATTTG  
GAAACCGGCGACGCAAACGAAGCAAAAACCGGCTCGAAGATACCGCCGAGAAGGTTAACTACGACGACAA  
TGTTTTGGTCATAATGGCTGGAACCAAAATCCGACGTTCTTAGCTAGGCCTGTATGCATAAAAATTCCTCCG  
CAGTGGAAGCCCACATCAATGGTGAATCGGAAGAGAAAGAGACAGCTGAAAATTCGAGAAATCGAACAAA  
GTGCACGATGGAGAAGTAAATACAGCGGTTGAGGAAGAAATCGAGTGAGTTTTTGAAGTAAAGTTGTACTGA  
ATTTTGATCTCTGTGTTCTTGAACGAGAAATTTGCCCTAAGGGTCTTACTGAGCTCTGTTTTCGGCTTCTTC  
GTTTCGAGAAATTTGTAAATTACAATGGAATTAATTATTACATAAAATTTTGTAAATCTCTCCCAATTTGTT  
AGAGACGGAAATCTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4483 XM\_002884667|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mRNA capping enzyme family protein, mRNA

TTCAAAGATGGCGATCCCTCCTTTTATTCAGGAAAGATTGTGGAGTGCTCTTGGGATTCTGATGAGCAAGTAT  
GGGTCTGCATGCGAATTCGGACAGACAAAACAACCTCAAATGATTTCAATACTTATAAAAAGGTAATGCGGAG  
CATTAGAGACAATATCACGGAGGAGGATTTGTTGAAAGAGATTCATGAGATCATACGCTTGCCCATGTATGCA  
GATAGGATAAGGAATGATAGTAAAGCGGCTCAACATACGAATTCAACACGACGGAGGTGATAGCTAGAAGA  
TGGTGCACAGATACAGAAATTAGGCAGTATTAGTCGGTAATGTTGCGGATGAGATGCTCAAAAAGGGTTCCTAT  
GTGTCTTGCTTGTTCCATCTCTGTTGCCAGCTAAATTTATGATGTCTCCTTGGTAGAGTTGTGCATATATATTAT  
TTAAAAGGTGACCAAGATGTCCGCCATTAGCTTCTTCTTTGTGCTATCCTTTAGTGTGTGCAAAGCCTGGTGAG  
TTGTATGATCCAGTCATTGCACTTGATAGATGTCTTCAATTAGGGCTTGAAAATCCATTTCTTCTAGTTTTCCA  
GGTGAAGAGATGTAGGATTAGGATCCATCATGTATATTAGTATTATTTTTACTTTCGTTATTTTAGCAATTGCTA  
AGCAGCAAATTGAAAGGCAGTCATTTTAAGTAAATCTGAGCCAAATTTTATAGCAAGGTTTTACATTTTACTA  
TTGTGAATAGCCTTTTACTTAATGAACATGTCTCTTCTCTAAAA

>trans\_c\_4484 Novel Gene

ATCTATCTCCACCCAATCTGCTGCCCCGATCAGAATCCAAGTCACCCACAACATTTTCAATTCGACGCTGAGGCG  
AGGGTGAACAAAGCAGTGTTCTTGCGACGGCGAAGTCACGTGATAGCCTAACTTCCACTCGCCTCTTAAAAGC  
GCATGCATTACGCGCCTTCTTCTCTCACTCAATCCCTATCTTCTCCCTACGTTGATTTACGAGAGAGAAAGAG  
AAAGAGAAAGAGAAAGAGAAAGAGAAAGAGAGAGAGAAAGAGTGGCGTGGAAATGACTCGAACTATTCGC  
TTTCTTCTCTCTCTCTTGTGTTGGTAATGGAATGAGATTAGCCTATTTCTTCTCCTCCTCTGCCCCGAATTC  
TTCGAATTCCTGCGCTCCCTCTCCCCTGTCTTCTCCTAAACCCTAACCCCTCTCCATTGCTAACCCCTTCTCTTTT  
CTTTCATTCATTTTTTGTGCTTCTTCCCTTCAATTTTTGTGCGATTTTCTTTTTTGGGTGCGGTTGATCTCTCCCT  
TCTGACTTTTTTGTGGATCTAAATTTTCGTGAACCTTTGAAGCTGGTTGAAACTCAAAATGGCAAAGGGAGCA  
AGGGACGTGCGAGGTTGGCTTCCCGTCAATTCAGGTCAAACCCGTATCCACTCCCTTATAAGAGGGTTTTCCCA  
GAGGATTTGTGCCAAGGGATTGTGTCAACGCTGTGGATAAGAAGTACTGGGAAGACTCAACATGCTCGGTT  
TGCATGGAGTACCCACACAATGCTGTTCTGTTACTTTG

>trans\_c\_4485 NM\_001036363|Arabidopsis thaliana APK1B; ATP binding / kinase/ protein kinase/  
protein serine/threonine kinase (APK1B) mRNA, complete cds

TATACTCCCAAATTATAGTTCAATTCAAGGACCCCCAAAACCTTCTTTCTCCCTTACCCATCTGAATTTGATTTTC  
TTTTTCCTTTTCTTCCAACCTCATCAATTTTGGGATTCTTCTTTGACAGCTTGGTCATGGAAATCCTTCTCCCTT  
TTCACACTTGCAACCCAAATCCACTTCTATTACGGGCTAGCCTTGCTCTAGCTCCCACCCCTTCCCCATTCCA  
CCCCTTGTTTCTACCCCTTTTTCGCTATTCTACTTTCCTCGTCTGGACTTGTTCTCTCCATAGCTTTCTTTCGAGC  
TTATTATTCATGGGGTCTGCTTAGTGCTAGGATTAAAGCTGAGAGCCCTCTTCATAACGGGTTGAGCTCCAA  
GTATGCAAGAGATGGGAATGATAAAGGGAATTCAACCAGCAAGTCATCTGTCTCAACCCCTCGGACCCCTCGA  
ACAGAGGGCGAGATCTTGCAAGTCCCAACTTGAAAACTTTGCCTACAATGAGCTTAAAGCTGCCACCCGAA  
ACTTCCGTCTGATAGTGATTGGGTGAGGGTGGATTGGTTCTGTATTTAAGGGGTGGATTGATGAACAGTC  
CTTCGCAGTTACCAAGCCCGGACTGGCTTAGTCATTGCAGTAAAAAACTCAACCAGGAAGGTTTTAGGGT  
CATAGAGAATGGCTGACAGAAATTGACTATCTAGGCCAGCTGCACCATCCTAATCTTGTGAGATTGATTGGCT  
TTTGCTTAGAGGATGAGCATCGACTTCTCGTATAT

>trans\_c\_4486 NM\_001085124|Arabidopsis thaliana peptidyl-tRNA hydrolase family protein  
(AT5G16140) mRNA, complete cds

GGTTCTACGTTCTATCCAAACAACCAAGAAACCCCCCTTCTTCTCCTCATCAGGGAGGTTCTTCATTTTCTTCTA  
CGGCTTTAACAACATCCTCCACTTCTTCTGCTCCAAAATCCACTCTTCTTTTTACTAAACCATCCAATTTACACGC  
AGGTTTCAATGTTATATGCAGCATCCTTCCAAAGTGTTTCCTTATTTTCTAATTCGAGTACTGCTCATTACCATT  
TCCTTCCACAAAGCCTCTAGTCTCTACAAGGCTGTCCGTACGAGCTTCATTGCCTGATAGTGATAATAATAATG  
GCGTTAAAGTGGAGTATACTCCTTGGCTTATTGTTGGACTGGGTAACCCAGGAAACAAGTATCATGGGACTCG  
GCACAATGTTGGTTTTGAAATGATTGATAGCATTGCTCAAGCGCAGGGAATTTTGATGAACACAATACAATCC  
AAAGCTCTAATTGGAATAGGTTCAATTGGAGAAGTACCAATTTTGGTGGCAAAGCCTCAAAATTACATGAATT  
TCTGTGGAGAATCGGTTGGACCTCTTGCTGCACATTACCAAATACCTTTACGGCACATCTTGTTGACATACGAT  
GAAATGAGCTTGCCAAATGGCGTTCTTAGGCTGCAGCCAAAAGGAGGACATGGCCATCATAATGGGGTGAAG  
AGTGTAATGGGACACCTGGATGGTCGACGTGAGTTTCCTCGGCTATGTATTGGAAATTGGAAAACCACCTGG  
GACTATGGACATGAAAGCTTTTCCCCTGCAGAAATTCAGTT

>trans\_c\_4487 AF279251|Vigna radiata NADPH-protochlorophyllide oxidoreductase (CipPor)  
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TTGTTAGAGGATTTGAACAAATCTGATTACCCCTCAAAACGTCTCATCATTGTCGGATCGATTACCGGGAACAC  
AAATACCTTGCCCGGAAATGTACCTCCTAAGGCCAACCTTGGTGACCTTAGAGGACTTGCTGGAGGATTAAAC  
GGCCTAAACAGCTCTTCGATGATTGACGGTGGTGAGTTTGATGGGGCCAAGGCATAACAAGGACAGCAAAGTA  
TGCAACATGCTCACTATGCAAGAGTTCCACAGGCGATATCACGAGGAAACCGGCATAACATTTGCTTCCCTCT  
ACCCCGGATGCATAGCTACAACCTGGTTTGTTGAGAGAGCACATTCCCTTGTTGAGTACTTTTCCCTCCATTCC  
AGAAGTTCATCACCAAGGGCTATGTTTCAGAAGATGAAGCAGGAAAAAGACTAGCTCAGGTTGTGAGTGAGC  
CGAGCTTGACAAAATCAGGTGTATATTGGAGCTGGAACAAGAACTCGGCTTCATTTGAGAACCAGTTGTCTCA  
GGAAGCAAGTGATGCAGAGAAAGCTCGGAAAGTGTGGGACTTGAGTGAGAACTTGTTGGTTTGGCTTAAA  
ATGTGAAGGAACCTTCTTCTATAATGGTCTTTTCATCGCTAAAACCTGAAGCTCATTGTGAGTTGCGGGAGTTGT  
AACTGTGATGTTGTGTTGTGTAACAAATTTTCTGTTGTAACCTGCTGGTGTGACTTGAGTTTAGTCGCTAAT  
AAAACCTCTCAACGTTCCCGGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4488 Novel Gene

ACCCCTCCCTTCATATCTTCATTCCCCACCAATAGCTTTATGCTTCCGCCATTTTTTCTTTAATTTCTTTTCCAG  
AAGCATCGACTATGACTCCCTTTGCTTATTTATCCATGGCATCGGGAGTACGAAAATATGCGAAATCGATTCA  
AATCGGTACTACATGGACAGGCATTGCCGACCTATCGACGGGTTTTGCCATTTCTCGTTGGTTCCACAGATTTT  
CTGACTTCTCTAGCCCTAGCTGAACTGATTTCTTGTTAGCTGAATCGTTTTCTTGTTTCTGACTTTTTATTAGTT  
TGGTTTTATGAAATTCAACTGCTCGATGATGATTGTTTTGCTTTAACCACACCGAAGCGAGCTGAGGCTGTGT  
CCTGATCCTCATTCTTTAAGCTTTTGAGGTGATTTCTTCTTGTTATTGATTTTCGCTGACGACACTTCCTTCT  
ACGATTAGAGGAATTGTTTTTTCTTTTATTTCTTCTTTAGAGGGAAGACGAAGGGAATTTCAATTGTTT  
GAAGTGATTTCTTTCTGGGCCTAAACGTTTTAGGATTCACCAGCTTCGAGTTTTAGCATGTGGAAAACCTTGGC  
CTTTTTCTGAGAGCAATTGTTGGTTATTAACCTATTTATGTTTGTCTTGATTGATTTTCTGATGCTTTTGTCTTT  
GAGTATCAATTATTCAAACCTGCTTCGGTTTGTTGATAATTTCCATTTTTTCTCGGTAACCTAATTTTGCCTGG  
GAATTTGCAACGCAAAATATATTCCTT

>trans\_c\_4489 AY206003|Malva pusilla glutathione S-transferase Z1 mRNA, complete cds

GGAAACACAAACCGGAATCTTCTCATTCTCAATCATCAGCTCATTTTCTGATTCTCTGGATTCTCCGCTCATCG  
GATCACCATGACCTCGCCGGCCGAGCTTCTCCTGAAGCTTTACTCTTACTGGAGGAGCTCTTGTTCTCACC  
GTGTTGCAATTGCCCTCAACTGAAACGTCTAAATTACGAGTACGAGGCTGTTAATCTACTCAAGGGAGAGCA  
ATTCTCTCCCGAGTATGAGAAGCTTAATCCTATTGGTTATGTACCCACTCTTGTTGGATGGTGATGTTGTTGTTG

CCGACTCTTTTGCTATAATCATGTATTTGGAGGAGAAGTACCCTCAGAATCCTCTGTTGCCTCGTGACCTTGGT  
AAAAGAGCTATTAATTACCAGGCTGCAAATATCGTTTCTCCAGCATACAGCCTCTTCAAATCTAGCTGTTCT  
GAAGTACATTGAGGAAAAATCTGGTCCAGAAGAAAACTTCGTTGGGTTCTACATCATATTGAAAAAGGTTTT  
ACAGCACTTGAAAAGCTGCTAAACCTCATGCTGGGAAATATGCTACTGGAGATGAAATCTCTCTGGCGGACT  
TGTTCTTGGCTCCTCAAATTCATGGCGCCATCAATAGATTCAATATTGACATGTCCAAATTTCTCTATTAAGCA  
GGTTGAATGAGGAATACAATGGTATAGCAGCATTTCAAGATGCAGCCCCAGCGAAGCAGCCTGACGCTACTC  
CAACCTCTACTTAATCCATTTCCACTACTTCTCTTTTCATTCTC

>trans\_c\_4490 BT030028|Arabidopsis thaliana At5g01370 mRNA, complete cds

ACATTCTCTCTATCTACCAACCCTATTCTTCTCATTCTCCTCACATTTTAAACAATGCCCAACTCAGCCCACCCCA  
ATTCCGGCTGCTTCTCCGGCATCCTGAGGCGGCTTCTTGCACCGGCAACCTTCCCACTCACCCATCTGAAGCT  
CTACACGAATCACAATTTGATATACCAAAGACAGAGGCCAACTCGCGGCTCAATCGGCCGAGTCCACACCCG  
GCGTGTTGGCTCGACTGATGGGCTTGAGTTCGCTACCAGACGCCAATTGGGTCCCGAACCACCAAGTCAGAC  
CAGGTGCAGTCTCGCGCAGCAAGTCCGTGAATTCGCTGATTATTTGCTTGATTTCGACTCTAACCAATCCAC  
CACCGCCGAATCCGAACCTCCGCTTCGTTCCGCGAGGTCCCACCATTGAACCCACACAATGATTTCTTTGTTCTA  
TACATAAGGATTGTTTCAATGGTTATGGGATTGAATCCAATTTGAAGAAACCCGAAACGCAGCGTTTTGACG  
AAGGAAAACAGAGTAGTAATGATTTGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAGAAAATGCGAGGAACGAAAT  
GAAGATTTGGAAGCTTAAAGATGAGCCAAGAAGGGTAAGTAGAAAGAACTTCACTGAGAGCAAAAAATGCA  
GCATGGGTAAAGACTCGTTCTCTGTTTTACCTTCATGTAAACACAAATGCAAACGGACTATCCCTAGAAATGAG  
AGTGCTGTTATTGAGAAGAAGCCCACTATGCAAAGGAAGCCACCATT

>trans\_c\_4491 EF205417|Physalis pubescens mago nashi-like protein 1 mRNA, complete cds

AGTCGCAGAGGTGGAGGGAGAGGAAGAAAGACGAAGCTTGAAAGCGGTAGCCATGTCTGCGGAGGATTTG  
GAGAACGGAGAGTTTTACTTGAGATATTATGTGGGGCACAAGGGAAATTTGGACATGAGTTCTTGGAGTTT  
GAATTCCGACCCGATGGAAAGCTCCGCTATGCTAACTCCAACCTACAAGAACGATACCATGATTCGCAAGG  
AAGTCTACCTCACCCCTGCTGTCTTCGGGAATGTCGTGAATCATCTCCGACAGCGAGATTATGAAGGAAGA  
TGATAATAATTGGCCAGAACCAGATCGGGTTGGACGACAGGAGCTTGAGATTGTGATGGGAAATGAGCATAT  
CTCCTTCACTACGTCTAAGATTGGATCTCTTGTGATGTGCAGAGCAGCAAGGATCCTGAAGGATTGCGGATA  
TTCTATTATCTTGTTTCAGGATCTGAAATGTTTCGTCTTTTCTCTCATTTCACTCCACTTCAAGATCAAGCCAATTT  
AAAGACGGGCCAATATTCTACTGTGCAATTTGAGGAACGTGTACTTCTCCAACTGTGAAATCTTTTTTGGGG  
TTTTTGGGCTATCTGAGAATTCTTTATCGTATATTAATGTTTGGTTTCTGAATGAATATTCAAATTTGGAGATTT  
GGAATCTGTATTGTTTTAGAGTTCCATCTTCTGGATTTCAATTTGCGTGCGGAAGACATGAATTGGTATTGATC  
TCCATGTTGTTGAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4492 FJ222389|Glycine max heat shock protein 90-2 mRNA, complete cds

AGGTCTGAACTTGACGAGAGTGAAGATGAGAAGAAGAAGAAGCTTTGGTGGAGAAGTTCGAGGGG  
CTATGCAAGGTGATCAAGGATGTTTTGGGTGACAAAGTCGAGAAGGTTGTTGTTTCAGACCGTGTGTGGATT  
CTCCGTGCTGTTTGGTAACTGGTGAATATGGATGGACAGCCAACATGGAAAGAATCATGAAAGCACAGGCAT  
TGAAGGACAACAGCATGGCTGGTTACATGTCGAGCAAGAAGACCATGGAAATAAACCCAGAGAACCCCATCA  
TGGAAGAGCTCAGGAAGAGAGCTGATGCCGACAAGAACGACAAATCCGTTAAGGATCTTGTTCTCCTTCTTTT  
CGAGACCTCCCTTCAACATCCGGATTACGCTCGACGAGCCGAACACCTTTGGAAACAGAATTCACAGAATG  
TTGAAGCTTGGATTGAGCATTGATGAGGAATCTGGAGAGGGTGATTCCGAAATGCCGCTCTTGAGGATGCC  
GATGCCGATGCAGAGGGCAGCAAGATGGAGGAAGTCGATTAATTTGAACTGATTTTGAAAGACGGTAGCAT  
CTTTCAAGGTTTTCTTATGTTATGATTTGATTTACAACCACAAACATATAATTTGTCCAGTCGTTTAGTTAGTG



TTTGCCTTACTTTTTTCATGCTTTGTTTTTCTGGACAAAGTACTGAATGTTATGTTTTCACTTCAAATTTTTGTG  
GCAGCTTAAGTGATAATATTTTGCTCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4493 AJ237751|*Nicotiana tabacum* mRNA for tonoplast intrinsic protein (TIPa)

AACCAAACCTCTTTCCAAGTTTCTTGTAGTTCAGTCCTTGAACCTGCCAGAACCAATGGCCAAAATTGCAATTG  
GAAGCATCGGCGAGGCCTACCGCCCGATTGCATCCGAGCCCTCATCGTCGAGTTCATTGTCACTTTCCTTTTC  
GTCCTTGCTGGTGTGCGATCAGCCATGGCTGCCAATGCGTTATTGGCAAACGCACTTGTGCGTTTATTCGCCGT  
TGCAGTTGCTCATGCCTTTGTTGTGGCTGTGATGATCTCTACTGGCCACATTTCTGGTGGCCACCTCAACCCTG  
CTGTTACTCTTGGTCTACTTTTCGGTGGCCACATCACAGTCGTTTCGATCCGCTCTATATTGGATTGTTCAATTGC  
TAGCAGCTTCAGCTGCCAGCTTCTTGTTAACGTACCCACCGGAGGCTTGGTCACTCCAATTACATACGTTAGCA  
AGTGGGGTTGGGTATCTTCAGGGAGTGATATGGGAGATTATTCTGACATTCTCCTTGCTTTTCACTGTGTATGG  
TACAATTGTTGACCAAAAAAAGGGGGCTTTGATGGGCTGGGTCCATTGCTGACTGGGTTTGTGGTGGGGG  
CCAACATCTTGGCTGGTGGAGCTTTTTCAGGAGCTTCAATGAACCCAGCAAGATCATTTGGGCCTGCTTTGGT  
GGCTGGAGACTGGACTGACCATTGGGTTTACTGGGTTGGGCCTCTTATTGGTGGTGGGCTTGCTGGATTCATC  
TATGAAAACCTCCTCATTCAAAGATCTCATGTCCCTCTACCT

>trans\_c\_4494 AY097399|*Arabidopsis thaliana* AT5g64130/MHJ24\_11 mRNA, complete cds

TTCTTCGAGCAGATTAGATCCGGGGGTTCAAAAATTCATCCTTCTTCTCCTAATTTCCCCCGTCGCCATTTTCG  
CAGCTTCAAAGGCTGCAATTTTATAATTATTGGCGTTGCTGCTTACCTGAGCTTTTCTAGTTAATCATGTCTGAG  
CATATCAAAGAGGCAGAACGAGTGGATGGAGATGGACATGTTGGATCTGAAGAATCTATGTCGTCATCTCGT  
AAAGAGGAGGAAGTTATAAAGAAAAAATATGGAGGAATTGTTCCCAAGAAGCCACCACTTATTTCTAAGGAT  
CATGAACGTGCTTATTTTGATTCTGCTGATTGGGCATTGGGAAAGCAAGGTGTTGAGAAGCCTAAAGGACCTT  
TAGAAGCTCTTCGCCGAAATTACAGCCAACACAACAGCAAACACGATACAGGAAGTCTCCTTGCTCCATC  
AGATGGTGAAGATGGAGGAACTGCTCAAATGAATATGCAACTTCGAATGAATGAATAACAGTTGCCGCTTG  
TGCTTGTTGTATCGCACTGTTGTTGAATGCCTGTCTAGGTATGAGCAATTTCTTTGTTTTTAGAATACAATT  
GCTCAGGTTGGGGATTTGTTATTGTGCTTACACTAAGAATATCTATTGTATGGAGAATGGTAACTAGATTGATC  
TATTTCATATTTCCATTGATTACAATCGATGAATATTATGACTTAATTTATAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4495 AF196288|*Medicago sativa* subsp. x varia Ser/Thr specific protein phosphatase 2A B  
regulatory subunit alpha isoform mRNA, complete cds

ATTAATTCCATTTCTAACAATAGTGATGGTGAGACATTTAACTCTGCAGACGACTTGCGAATAAACTTATGGAA  
CTTTGAGATTAGTGATCAGTGTTCATATCATTGACATGAAGCCTTCAAACATGGAAGATCTTACAGATCATA  
ACGTCGGCTGAATTCCATCCTCTGCACTGTAATCTTCTGCATACAGCAGCTCGAGGGGTTTATACGTCTAGT  
GGACATGCGCCAGTCTGCATTATGTGATCATAGTGCTATTCTCTTACGAATTGAAGAATTGAATCGACCAAAT  
CATTTTTTACGGAGATCATTTATCCATATCAGATATAAATTTTTCAAGTGATGGACGGTTTATCATTAGCCGGG  
ATTACATGAATTTAAAGGTTCAAATAGTACTGGTGATGGAATGTTTTCTTGTGAATCTGTTGTCAGTAAGTAG  
AACCATTATTCTAACTGTTGCAGACCTCTCAAGCGAATGGGATATGTTTTATTACAGGTCACGATGTTTTTTA  
CCTGTTAATTATTTGGTTTACTTGTTTTTTTCTTTTTTTCTCGATCTACTTGTGATGAGCTACTTTTTTTCTG  
TTTAATGAACCTGAGCATAGTTCAATTAGTTGAGGCATATGCCCTTGATCAAGAGATCAAACCTTTCAAAGTTTA  
ACAAAAAATTATTCTATTTTGTTAGTTGTATACATGTTGGCTTGATATTCTCACAATGTACTTGAGGATGTGAA  
CCTTCGGGAATGGGATGCAAATGCTAATGAC

>trans\_c\_4496 XM\_002874895|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* Os01g0254000, mRNA

>trans\_c\_4497 AF462836|Arabidopsis thaliana AT5g47570/MNJ7\_16 mRNA, complete cds

>trans\_c\_4498 GU393308|Vitis pseudoreticulata DRE transcription factor 1 mRNA, complete cds

>trans c 4499 AY104071|Zea mays PC0074293 mRNA sequence

ACCCCTGGATTTTGAGTAAGATTATTATGATTGAGTGTTCTTGGTGAGATAGTAGAAGAAGGAGGATGATGAA  
GCTCACTTGGCCATCATGACCTTCAGTTATTATCATCGTAGTTAATCTGCCCATCGCCATCCACATCAGCTTCTCTG  
ATCATCTCATCCACCTCCTCCTCTGTCTCAGTTTCTCGCCAAGATTTGTATCACATGGCGAAGCTCAGCAGCGGA  
GATGAAGCCATTCTGATCCTTATCGAACACACGGAATGCTTCTTTCAACTCTTCTCTGAGTCCGTATCCTTCAT  
CTTCCTCGCCATGAGGTTTAGGAACTCTGGAAAGTCGATTGTTCCATTTCCATCAGCATCCACCTCATTGATCAT

>trans\_c\_4500 GQ917184|Glycine max cultivar Kefeng No.1 beta-form rubisco activase (RCAbeta)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_4501 XM\_002889886|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cornichon family protein, mRNA

>trans\_c\_4502 NM\_122523|Arabidopsis thaliana ChaC-like family protein (AT5G26220) mRNA, complete cds

CTCTCCAGAAAAAAGAGAAAAAATTTACCATTTCTCGGGAAGTGAGAGAAGAGATAGAGAAACCAAGAGG  
GAGGAAGAACACAGAACTCAACCACTCTCAAGTTTCGAAGCTAAAACCTAAATTCCTCCCCATTTCTCTCTGC  
TCTTTGATTTTTCTTCATTTTCTCTCCTTTGTGCTTCGCATTGTTCACTAGATCAGACCAAAAAGAAGAAGAA  
AAAGAAAAAAAATCTCTCTCGTTTTCCGGGAAAAGTTTTCGGATCTTTCGAGTTTTAGAATCATGGTGTTCT  
GGGTATTTGGGTATGGCTCATTGGTGTGGAATCCAGGATTTGAATTTGATGAGAAAATTATAGGCTATATCAA  
GGATTATAAGCGTGTTTTCGACCTCGCATGTATTGATCACAGAGGTA CTCCAGAAAATCCTGCTAGGACTCTTA  
CTTTGGAACAGGAAGAAGGAGCTATTTGTTGGGGAGCAGCTTACTGCGTGCGGGGGACTCCTGAAAGGGAA  
CGAGCTGCAATGGAGTATTTGGAGCATAGAGAATGTGAATATGATCAAAAAGACACTTGTTAACTTTTACAAGG

AAGAGAACTCTATTGAACCTGCGCTTACAGGAGTAATTGTTTTACGTCCACTCCGGACAAAGAAGTGAACAA  
ATACTACTTGGGCCCTGCTCCATTAGAGGATATGGCTAGACAAATTGCAACTGCTGTTGGGCCTTGTTGAAAC  
AATAGAGACTATATTTTCATGTTAGAAAAGGCATTATTTAACATAGG

>trans\_c\_4503 Novel Gene

CATTTTCAGCACAGCCCCTACCTCCACATCCACAAGGTTCTTCAAATTTCTGTTATTTCTTCGATTTTGTTTTGAA  
TCTTTTTGTTATGAGACTCTACTGATTCGTTTTTAAGAAAAGGGGGTAATCGCAATGGTGGACATCGAGGAG  
GAAAAGGGAGGAGATAAGTTAAACGGTGTTTCTAGTTCGAGTAGTTTTTCGGGCAAATTGGTACACAAGTAC  
AGAGAAATCAAAGAGAATGCAGAAAAATATCCTTATGTATGGGGATCATACATTATTGTCTATGGGGGAATG  
TTTCTTTGGGCTGGGTATAGATGGAGAAAGCTTCGGAAGACGGAGGACAGAGTACGTATTTTACAAGAGAAG  
CTTCGACAACATTATGAAGCAGAAAAATCATCCATCAAACAATCAGCAAATTCAGTTGATAAAAATTCAACTCC  
TTCCAAGCAGTAGCCAGATTTTGAATACGTTCTTCTTCTTCTAAAGATATTGGTTAGATTTTGTATCTCATTTGTT  
CCGCTGTTAGGTTTTGATTTTGTTTTAATTTAACAGGGATCCCATTTCCATTGATGACAAGTACACTGCTCTGTT  
GTTGTTCAAATCAATTCTGCAATGCAAATTTAGGAGATAAAAGAATAATGTTTTACAATGACTGGAATGCTA  
GGTTGCGTTCCTAGTTTTCCACTGATAATACAAGGAAACCATTTGCTCAAACGTAATACGATTTGAGTGATTGA  
GGCTTTGTTTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4504 EU024516|Corchorus olitorius vacuolar proton pump subunit F mRNA, complete cds

TGCAAGAAATTAACAACAACTAAAATTCTCTCTTCTCTCCGTCGTGAAGCCCAGCGCCGCTCCAGCTTCGCGT  
CTTCAGTCCGCTAACCGCCCAGACCAAGGCGCCGCCGACCAGATCTGTACCGCTAGCTGTCGTTAACAAAATC  
CTCCGATTACAATTCCAGCTTCTGCTACATCTCATAAATGGCTGGCAAAGCTCAAATTCCTACCAAGAATTCAG  
CGCTTATTTCTATGATTGCTGATGAGGATACGGTTGTTGGATTTCTTCTTGCTGGAGTTGGTAATGTTGACCTG  
CGAAGAAAACTAATTACCTTATAGTGGACTCGAAGACGACTGTTAAACAAATTGAAGACGCTTTCAAAGAGT  
TCACTACAAGGGAGGATATTGCAATAGTGATGATTAGTCAATATGTTGCAAACATGATCAGGTTTCTGGTAGA  
TAGCTATAACAAGCCAATTCCTGCAATATTGGAGATTCTTCCAAGGATCATCCATACGATCCTGCTCATGATT  
CTGTTCTTTCCCGAGTAAAGAACCTGTTTTCTACCGAATCAGTGGCATCTGGGAGGTATTAATGATATTGTA  
ACTTTCGTCCCACTCTTTATGAAGTCATCCACCTTTATTCAAACATGCTGCATTTGCGTTCCCGCTTTATGCCT  
TGAATTTATTTTGAATGCTTCTATTCATATCGATCAATCGAATAAACTCGGAAAATACATGGCGTCAGAGGA  
GCTCGTGGTGTCCAAACACCTTACAATGCCATTTATTTT

>trans\_c\_4505 NM\_128185|Arabidopsis thaliana CID7; ATP binding / damaged DNA binding /  
protein binding (CID7) mRNA, complete cds

AGAAGAAGAAGAAGATGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGTGGGGGAGAGGAGACGAGTT  
TGTGAAAGTTCATAGAACACCGAAGAGAGAAAGAGAGAAATACTCACAAAGAAGTTCGTAATTGAAGATAAA  
ATTCGAGTCTTTATCTTTAATTCTTTACCCTTCTGACTTCATCCGATCCGTTTCCATGGATCCCTTCGATTTGTTT  
GTAAAGGTTTTGGTTGAGGCTACAAAAACACGAGCTTTCCCTACTGGATTTTTCTTTTCTTTCAAATACATG  
TGAGTATTCTATTTTGTATTAGATATAATGAATGTATCCAAGAAGGGAACGCAAACCAGCGAGGTAAACTAA  
ACGTTGGAAGCAAGGTGACTGCTTTGAATCCAAATGCTGCTGAGTTTATCCCTTTGCCCTCAGAGCATCTCCA  
GTTGGAAGTAGTAGTGACACGATTTGACAGAAAGATTTTCTTCTGGGACATTAGGAAAGGCTGTTCTAGATC  
GGACCGAGTCATCTGTATCAAATAATTCTGATGATGAGGCCCGTCAATTCTGGAGGCATCAGCTCCCTGATGA  
TATACCCCTGATTTCAAGTCAATGGGAGAAGATGAGAACCTATCTCTTGGAATATTTGTTGGCAGGATTAT  
CCTTGACGATGACAGCGAAGCCTCTTTATTTGCTGCTACTACTGGCAATGAATATTTGTTGAATGATCAGCAG  
GATTCACATTTAAGTCATTTTAAATGGCAGCCAATTTGCTGAAA

>trans\_c\_4506 DQ834316|Coffea arabica neutral/alkaline invertase (Inv3) mRNA, complete cds

AGAGGAGGCTTGACAACCTTTGAGAGCTCATATTCACCTGGTGGGAAGGTCAGGATTTGATACCCCAGCTTCAT  
CTTCCCGAAACTCGTTTGAGCCCCACAATGATCGCTGAAGCATGGGAGGCTTTCGCTAGATCCATGGTGTATT  
TTCGGGGCCAACCAAGTTGGAACCATTCAGCATATGACCACGCCTCGGAGGAAGTTTTGAATTATGATCAGGT  
TTTTGTTTCGGGATTTTGTACCAAGTTCGTTGGCTTTTCTGATGAACGGGGAACCTGACATAGTTAAGAACTTCC  
TGCTAAAGACGCTGCAGCTTCAGGGATGGGAAAAAAGAATTGACAGATTCAAGCTTGGGGGAAGGTGCAATG  
CCAGCTAGCTTTAAGGTTCTTCATGATCCCCTTAGAAAAACAGATACCGTTGCTGCTGACTTTGGAGAGAGTG  
CGATAGGAAGAGTTGCTCCTGTTGACTCTGGATTCTGGTGGATCATTCTGCTCCGTGCATACACAAAGTCAAC  
AGGTGATCTATCTCTGGCTGAAACATCAGAGTGTGAGAAGGGCATGAGACTTATTTAACTTTATGTCTGTCTG  
GAGGGGTTTGATACGTTCCCACTTTACTTTGTGCTGATGGATGCTCCATGATTGATCGAAGAATGGGTATAT  
ATGGTTATCCTATAGAAATCAAGCCCTTTCTTTATGGCCCTGAGATGTGCTCTGGCTATGCTGAAACATGAT  
GCTGAAGGAAAAGAGTGCATAGAGCGTATTGTGAAGCGTTTACATGCC

>trans\_c\_4507 XM\_002299371|Populus trichocarpa AP2/ERF domain-containing transcription  
factor (ERF1), mRNA

TTCAAATCTCATAACAATGGAACCTACCAGTTGAAGAAGACAACGACGACGAGTTCTACCATTAAACCTCATC  
CGATACCATCTTCTACAAGACTCCCATTCCTTCTCCACTCTCCGAGATTTTCGGATTCAAACCTCGAATTCGAAGAT  
TTCGAGTACGTGAAACCATCGGAAGAGGAAGAAGAAGAGCCTCCGATTCAGAGTCCGAAGAGGCACCCACA  
ACGACAATCGCCGCGTTCGAGCTCGCCCGATGGGGGTAGGCGTTACAGAGGGGTTTCGGCGGCGGCCGTGGG  
GGAAGTTTTCGGCGGAGATTTCGAGATCCGAGTAGAAAAGGGAGTAGGGTTTGGTTGGGGACTTTTCGATTTCG  
GATGTTGATGCGGCTAGGGCTTATGATTCTGCTGCTTTTAAAGATAAGGGGAAGAAAAGCTAAGTTGAACTTTC  
CGTTGGATGCCGGAAGTCTGACCCGCCGCCGGGGAATGGCCGGAAGAAGAAGAGACGTGAGACGAATTTG  
AATGCTTAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACACTTTTTATAAAATCTTTGAACAAATCTTCATTGTGGACTA  
ATCATGAATTTTGTATATGAATTTCTAAATACACTAAAAAAGAAAAGGAAGAAAAGTCTAATTTTCGTATGCAT  
AGTCAATTTAGTATTGTAATAGAAAGCTTTTGAAATATCAATTAGGTATGAAGTAAAATGTTCTCTTTCATATA  
AAGGATGATTTTCTGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4508 Novel Gene

ATATTCCTCATTGCTATTAATAAATATGTGAAAAAGAAAACCTCTCCATCTCTTTAGCTCCCTATCAAGGTTTTG  
CGTAAATTTGTATAGAAATGGAAGAGTTCAATGGTGGGTATGGAGACAACCTCTGTTACCTCCTGATCAACA  
CGAAATGCCGAAGGGGAAGAAGTACGGAGGGTTGGTGCCGAGGAAGAAGCCCTTGATTTCAAAGGATAACG  
AAAGAGCATTTTTTATTGATTGAGCGGACTGGGCCCTATGCAAGCAAGGGGCTCCTGGAGGTTACCAAAAAACAA  
TGGCAATGGTTGAGACTCTCAGACCCAAATTACAGAGAACCCAACGGCAACAACCTCCCCACGGCGACCAAC  
TTGCACTTCTAGACAAGACAACCTTGTAACCGGAAGATTGATTGTTACTATAAGGTCTATCCATTTTTAGACCA  
AAGATGAAAACCTAAATTCTATCTTTCCACATTTAACTTTTATTGGTTTTAGTTTATGAACTTTTAAAAGGTTTAT  
TTTGATCCCATACTTTATAAAAAATGAATATTTTCGGTTCTTTTATTATAAGAGATTGAAATAGTCATTTTTTAAA  
GTATAAATGTCTAATGATCAAAATCTCGTAGAGAGGTTCTTTTAGTGCATGTCGTCGTTTTCTTATGTGATTAGTT  
GAGTGTAATATGTAATGTAATGTTTATTTAGTAATAAATAGACAAAAATCTTGTGTATATAACATTTATTCTT  
TTGTTATAAGGTAAAATAGTAATTGTACAAATCTTTT

>trans\_c\_4509 NM\_179332|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein  
(AT1G14710) mRNA, complete cds

GGTTAATGATCTTAGGGCTTCTGGAAAGAGAGGGGCAATTTCAAGGTCAGACGTATGTGGTCTCGAAAAGACC  
CACAAAGGGACATGGGAGAGAAATGATCCAACCTAGGCTTTCCCATTCAGACGCTCCTTACGAGGATGAGAA  
TTCTTTAGTGTCTCTAAAGATAGAAGAATAGAACCCATTCCTCATTGCTTCAAGATCTCATTGATCGCTTGGT  
TGGGGATCAAGTGATGACAGTGAAACCAGATTCTGCATCATCGATTTTATAACGAGGGTGATCATTCTCAG  
CCTCATGTCTGGCCATCATGGTTTGAAGGCCTGTTGGTGTCTCCTTTTACTGAATGTGAAATAACCTTTGG  
TAGAGTGATTGGTACCGATCATTCTGGAACTATAGAGGTGCTATTAAGTTGTCTCTCACACCTGGAAACCTTC  
TTGTGGTGCAAGGAAAATCTGCAGATTTTGTAAAGCATGCAATTCCTGCCATTCGCAAGCAACGCATACTTGT  
ACGCTAACCAAATCACAGCCAAAAAGAGCTTCACCAGCTGATGGGCAACGTTTCTCTAAATGTAGGTACAT  
TTTCTGGTTGGGGCCCTCCATCTGCTAGATCACCCAACCCTCGTCTTTCACCTGGACAGAAGCCCTACTCTAAT  
GTTCCATCAACTGGTGTAACCGGTACCACCCATTCGTCCTCCAAATGGCACCACCAAATGGCATCCCTCCTTT  
AATTGTCCCTTCTGTGGCACCACCTATGCCTTTCACTCCCGT

>trans\_c\_4510 NM\_001059846|Oryza sativa Japonica Group Os04g0515400 (Os04g0515400)  
mRNA, complete cds

GGCTCATTTACACACATTATTTCTCAACCCCAACCAGCCATGGGAGGGGGCAAGCAAGTCGATGTTGATGTCTG  
GTGTTGACGACATTAGCCTCAAGGACCTCTCGTTAAAGCTCGAGGAGTTTGCCAAGGCCAGAACTGGGAGA  
AGTATCATAGTCCTAGAAACCTTCTCCTTGCCATGGTAGGAGAAGTAGGAGAGTTATCAGAAATATTCCAATG  
GAGAGGAGAAGTGGAGAAAGGACTGGCAGATTGGGAAGAATCAGACAAAGAGCATCTTGGTGAAGAACTTT  
CTGATGTGTTGCTTTATCTCATCAGATTGGCTGATATTTGTGGAATCAATTTGGCTAATGCTGCTACTAAGAAA  
CTTGTTAAGAACTCCATCAAATACCCCAACCCCTTAGCTTTTTTATTATTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTTAA  
TTTTCCCATCTTCTCTTCTATTCTTTTTTTTTTCTCCCATTTTGTGTACTGTAGTTTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAGAACACTACATAAGATATCCATTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAC  
ACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCGAAAAATTTTATATCCCCCGCCCCCAGGGGGGG  
GCCCCGGCCCCCATTCCCCCAAAAGGGGGTTTAAATAACCGGCCCC

>trans\_c\_4511 NM\_001070128|Oryza sativa Japonica Group Os09g0503400 (Os09g0503400)  
mRNA, complete cds

TATGGATCGGGTGACTCTGCAGTAAACCTGAGCAGATGACAGATGAAGTTTGGGATTTTGTCTTTTGTGGTG  
CTGCAGAACCAAAATCAACTGGAATCTCACAGTCAATTCTTAATAAGATGAAACAGGAGTTTGAGTATTGGTA  
TCCATTTGATCTTAGGGTTTCTGGAAAAGATCTTATTCAGAATCATTTGACATTCATTTACAATCATACTGC  
AATCATGCCAAAGCGCCATTGGCCTCGTGATTCAGATGTAATAGGCACATCATGCTTAATTCTGAAAAGATG  
TCCAAGTCTACCGGAATTTTGAACCTTGCCTGAGGCAATTGAAGAGTTTCTGCGGATGCTACACGATTCTC  
ATTGGCTGATGCTGGTGATGGTGTGATGATGCAAATTTGTATTTGAGACGGCAAATGCTGCCATCTTACGT  
TTGACCAAAGAAATAGCATGGATGGAAGATATTCTGCAGGCTGATTCTTCTTCGTTCTTAGAACAGGTCCTCC  
ATCAACTTATGCTGATCGGGTATTTGAAAACGAAATCAATATAGCTGTCAAAATGACAGAGCAAAATTACAAA  
GACTACATGTTTCGCGAAGCTTTGAAGACCGGTTTTTATGATCTTCAAGCAGCTAGGGACGAGTACAGGTTTT  
CATGTGGTGCTGGAGGCATGAACCGTGATTTGGTTTTCCGTTTTATGGATGTCCAGACACGTCTCATTACTCCA  
ATTTGTCCACACTATGCAGAACACGTTTGGAGGAATATGTTG

>trans\_c\_4512 AB015760|Nicotiana tabacum mRNA for histone H3, complete cds

AACTTTTGGCTTCTTTGACGAAGAGAAGGGATCTGGTCGAGAGAGAAGAACCGCCGAAGCGACATCAGATGG  
CTCGTACCAAGCAAACCTGCCGTAAATCCACTGGAGGGAAGGCTCCAAGGAAACAGTTGGCTACAAAGGCTG  
CTCGTAAGTCCGCCCCAACACAGGAGGAGTGAAGAAGCCACACAGATACCGTCCTGGAAGTGTGCTCTTCG

TGAAATCCGTAAGTATCAGAAGAGTACTGAGCTTTTGATCAGGAAGTTGCCCTTCCAGAGGCTGGTTCGTGAA  
ATTGCCCAGGACTTTAAGACTGATCTGCGTTTCCAGAGCCATGCTGTTCTTGCATTGCAAGAGGCAGCGGAGG  
CTTACCTTGTTGGATTGTTTCGAGGACACCAATCTCTGTGCAATCCACGCCAAGCGGGTCACCATAATGCCCAA  
GATATCCAGTTGGCTCGGAGAATCAGAGGTGAACGTGCTTAGAAGATGTATTGTTGTTGGTGAATGGTATTG  
GCTGCAAGGAGGTGATCAAAAAGACCTAATTGATGATGAAGGATGATGATGGGGGTGGTTCTTATTTTTGTTTT  
TAGCAAGGGTTAGTAGATAGTTTTATACTAGAAAACTTGTAGTGAATATGATATTTTCGCATAATGCTTTTGG  
TTGTGCATGTTAATGTTTAGTTGTGGATGATTTTGTGTTTTGTTCTTTAAAAAAGGATGGAGGAGCTTAATTCT  
GATTTCCATTGATGAATTGTGTTTCTGGGGTATGCAGCCAACT

>trans\_c\_4513 NM\_001056270|Oryza sativa Japonica Group Os03g0279900 (Os03g0279900)  
mRNA, complete cds

ATCGTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCAAATTCTTTGATTTTAATTGTTAATTAATTCCATAAGTATGCCTCAGAGACA  
CTCGAAGAACAATAACGATTTAGCCTTCTTCACCTATGATGAGAAGCGGAAGCTCGGCTACGGAACCCAGAAA  
GAGAGACTTGGTAAGGATTCCATCAAGCCCTTCGATGTCTGTTGCTTATGCTTGAAACCCTTCATTGACCCCAT  
GTGCTGTCAAAGGGGTCACACCTTTTGTAACAGTGCATTCTTGAGTGCCTTTTGGCTCAGAAGAAGGATAAT  
CAGAGGAAGCTTGCTGCATATACTGCTCAACAAAAGCAAGAGAAGGAAGAAGCAGAAGAGAAGTTAATGCA  
GCAAAAAGCTAGAGAAGCTCGATGCATTTGATCAACAAAACCATGGTGTGTACCTCAATACAACGATCGAAAC  
CAAAGTCGGGATAAGAATGGTTTCCATGGGGCAAATAGTGTAAGTCACATCTTACGAAGAAGAAGCACTT  
CGAACCATGAAAGCATTTTGGCTGCCTTCAGCTACACCAGAAGCTCCTGTAAAGCAGGAGCTCCTTCAAGCA  
GTACATTCTGTCCAGAAGGTAATGAGAACTTAAGCTAAAGTCCCTTTTCTATACATTTACAGAAGACAAC  
AGTGAGCAAAAGAAATCAAAATCTTATGATGTTTCATACATCTGCCCCAGTTGTAAGGTTACTCTAACAAACAC  
GATGTCTCTTGTGGCCTTAAGTACATGTGGACATGTCTTTTGTGTA

>trans\_c\_4514 XM\_002521304|Ricinus communis Phosphatidylcholine: Diacylglycerol  
Acyltransferase, mRNA

AACAAAAACAATGAGACACGTAATGGTGATGGAGATACTTCTTCAAAGAAAGTTCCTACTACGGACGAATTATAT  
CGTTTGGGAAAGACATAGCAGAGGCAGATTCATCTGAGATTGAGAGGACTGAGTTTTTGGATGCTATCAAAG  
GACACAATGTTGCAAATGCTACTTGCCAGGACGTTTGGACAGAATACCATGACATGGGAATTGAGGGTATCA  
GAGCAATCTCAGATTACAAAGTTTATACAGCTGGATCTGTCTGATGCTACTTCATTATGTTGCCCCACATACA  
ATGGAACGTGGGAGCGCCCATTTCTTATGAGATTGCCGACAACCTTGATGATCCGAAATACAACCACTACA  
AGTATTGGTGAACCCGTTGGGGATGAGATTGCCAAATGCTCCGGACATGGAGATCTTTTCTTTGTATGGAGT  
TGGGATCCCGACCGAAAGAGCTTATGTTTATAAGCTATCTCCTGCTGCTGAATGCTACATTCCATTTAGATTG  
ATACTGCAGCTAATGATGGTGATGAAAACGGCTGTCTGAAGGATGGAGTTTACACCGTCGACGGAGACGAAA  
CCGTGCCTGTTCTAAGTGCTGGTTACATGTGTGCCAAAGGCTGGAGAGGCAAACTAGATTTAATCCTTCAGG  
AATCCGAACATACGTTAGAGTACAATCATTCTCCTCCATCAAACCTTGCTAGAAAGACGAGGAACGCAAAGCGG  
CGCTCATGTGCACATAATGGGGAACCTTCGCATTGATTGAAGATATAAT

>trans\_c\_4515 Novel Gene

AAGCTATCTCCTACCTTATCCTTCCCTCTCTTTTTCTTCTTCTTCTCGTATATGCATATCTTCAAATTTGCTGCTTT  
TTTTGTCTGATTATTCATCTGGGTTTGTGTTGCAACAGGAAGGAGGAAGAATTTCAAATCAAGAAGAAAAATGT  
CAGCTGATGAAGGTGCAGTTGTTGCCGAGGCTCCGGCCCCAGCTCTTGGTGAGCCAATGGACATTGAGACTG  
CATTGCAACTTGTTCTTAGAAAATCATTAGCTCATGGTGGGCTTGTTCGTGGTCTACATGAAAGTGCTAAAGCA  
ATTGAGAAACATGCTGCTCAGCTCTGCGTCTTGGGAGAAGACTGCAACCAGCCAGATTACGTTAAACTCGTCA  
AGGCACTTTGTGCCGAGCACAATGTAAACCTGATGACAGTTCCAAGTGCAAAGACCCTTGGCGAATGGGCTG

GTCTTTGCAAGATTGATTCCGAAGGAAAGGCTAGGAAGGTTGTTGGGTGCTCTTGTGTTGTAGTTAAGGACTT  
TGGGGAAGATCATGAGGCACTTCACATTGTCCAGAAGCACGTGAGTTCAAATTGATTACCCGAATGGTGGTGT  
TTATTGGTATCACTAAGAAAGTTTTTGATCTTTAGTTATGTTTAGGTTGGTCCCTGCTGCTGCTGAACACGTTT  
TTACCCTGTAATGTTTTCTTTGTTATATTGATTGATGAAAAATTTTCGGCAAACAAAAACACAATTTGTTTAT  
CAAGAGTCTCCTTGCCAAGGGTATAAGGGAATTTAATTT

>trans\_c\_4516 NM\_180434|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S17 (RPS17D) (AT5G04800)  
mRNA, complete cds

AGCAGCGGCAGCTTCACCACACCACACCACACCGTACTCTTCCAAACCTTTCTGTTTCTCTTTTCAGGTAAAGTT  
TGGTAGAAGATGGGTCGTGTTAGAACCAAGACTGTGAAGAAGTCTTCACGCCAGGTGATTGAGAGGTACTAC  
TCGAAAATGACACTGGATTTCCACACGAACAAGAAGATCTTGGAAGAGGTTGCCATCATCCCCTCTAAAAGGC  
TGCGAAACAAGATTGCTGGATTCTCAACCCACTTGATGAAGAGAATTCAGAAGGGTCCAGTCAGGGGCATCT  
CATTGAAGCTTCAAGAAGAAGAGAGGGAACGTCGTATGGACTTTGTCCAGATGAATCAGCCATTAAGATCG  
ACGAAATTAAGGTTGATAAGGAGACACTTGATATGCTTGCTGCTTTTGGCATGTCGGACATTCTGGACTTGT  
GGAGGTTGAGCCACAAGCTATGATTCTCCCCAAGCTTTTGGCAGGGGTGCAGGTGGCCCAAGGAGATACTA  
AGATAAGGTAATTGAGACTACTCAGCAGCTTTTTGGGAATTAGAAGTTTTTGTATTCAATATCATAAGGCCA  
TGGATATTATTGTTGCTAGTTACTATCAGATTGGTCCTTAAATGTTTGACTTTTCTTTTAGTTTGGATTTGAAT  
GGATGTTTAAATCATTTTGGACATGGATGATGATACTTTGTTTAAAGTTTTGGAGATCTCTGAAGTAAACGTT  
TTTTTGCTATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4517 AJ539160|Triticum aestivum sdh2-rps14 gene

GAATTTGTCGGTTCCTCAGCCGATTTGCTCTCTTCCATCGACCTCAATTCCCTTGTCTGCTCAAACCTCGAAGAA  
CTCAAAGGCAGCTACAGCCATTGCAGAGGATTTCAACCTTGAAGGTGAAGCGAAATGTCGGGGGACAAGCG  
AAACATTCTTGATAATTATCGCCGACAGCTTGCTGCCAAGTTTGAGGTGAAGCGGAATCTTTCAAAGCCATTT  
GCAATGATCCGAGTCTTCCCAAAGATGTTCTGTGAGGAGCATCGTTATAAGCTGTCGAAGTTGCCAAGAAATAG  
TTCGTTCACTCGATTGAGGAATCGCTGCATTTTACCGGTGACCTAGGGGTGTCTACCAGCTTTTCCGTATGT  
CTCGTATCGTTTTCCGTGAAGTGGCGAAGAAAGGTCTTGTAATGGGTGTCAAGAAAGCTTCTTGGTAGATATT  
GATTGATGGTAGAGACTTTTGTCTTGTGGCCAGCGGAAATTAACATATGCTCTGAAAAATGTAATATTAAT  
TTAAGTTCCTTGACATGATCCATGCCAAAGAAGAGCAAAGGCTTTACTTTTACTATTCAATAAGTGTTTTGTCT  
TAGACAGTTAAGAATTGTGTTGTATTTTCTGATAGTTACCATTTCTTTTCCCCTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAATATCTGCTACTTACCCTCTTTTTCTTTTACTGCATTTTCAATTGAGTTTTGGCTTAGTAGTCTAT  
AAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4518 AL161550|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 50

ATTCATTTAAACCTTCTATTTGTAATGAGCAGCGATAGCAATAAACCCATCTTCACACTTGTTCGACGCCATCA  
CTATGAAACACTCAAACCAACATCATTCACAAACAAGAAGCAAGCCTATGGACAAGAATTACTCAAATTGGG  
CACAGGCTGTGGCCACTGCTTGGTGTTTCATGATGTTGTTAGGCCTTTTGTGTTGTTGTCTAAGCACCAATCCT  
CGCCACCACCACGACTCTCCGCCGCTAACTAGCTGCACTTGCGACGGCGGTTATGCAGGTGTTTGAATTTT  
ACAACACGGATATAGATACAGAAATAGATATGTTTTCTTTTTCAGTTTCATATCTGATTCTTTTGTGTTTT  
GCTGTGATGGGGTGTTTTGGTTTGTGATTATTATCTATTGTAAATAGAAACCGGAATTCAGAGTCATCTTTTTT  
CTTTTCTTCGCTTTTCTCTTGATGGTGACACCATCTGCATAGAATTGCTTCACTTCAATTACCAGATTGAAA  
TAAACGAAAAAGATTATTGTAATCAATTCAATTTGAAGGCCGGAATTGTTTGGCACCTTACAGCCAAAAGAA  
CAGAGTGGCTCCGGGAGCTGATCAGCCGCCTGAATTTCAATGATTTTGAAGTGAAGCTGATTGATTGGAA



CCAACCACTTGACCCCACTCAATTGCCAATGGCCCTAAGGGCTAAGTTATTTCCCTAAATACTTCTATTTTCCAA  
GTCTTATGGTCGAAAAAACCTTTTTATATAAA

>trans\_c\_4519 NM\_001160800|Arabidopsis thaliana RNA-binding protein-related (AT4G28990)  
mRNA, complete cds

AGGATTCGGCAGGAGGTGATTTTTAGATAATCTTTTTGGCCCTTGGTAATAACACAAACATCAACGTTACTTC  
CACTCCCCAAATCATTAATATCCAGAACATATCGCCTCAGTTACAAGTCGAATCCCTTCATCCCTGGTCAGG  
CCTTCTTTGTACTTTGATTCAAATACAGACATTGCAGCTAGAGAGCCCGAACCCATTGTTGCAAATGGCAAGGT  
ATCAGTAGATCCATGAGGATAGATAGTATGTAAATGAGGTCCAGTAACGTCAACCCACCAAGCACCAAAGC  
GGCCGAAACATAACCTTGATAACCAAAAAGGTGTTTCTTGAGAAGAGTCAATGCAGTAACAACCTTGATTCT  
CTGCCAGTGTGATAGCGATGCAATTGCAATTGGGAGCTAACCATGTCAGTTACTGCATCTGTATCAGCAGCAG  
TTCCAGCTCCACAACAATATATGTTTGGTGCCATGTAATGAATTTTCTCACAGTTTTTGTGAGCAACAATAGGCC  
CTTCAGTAGCACGTGTATCAGCCCCAAGAATAACACCATCCTGGAAGATTAACCCACAATGGTAGTTCCAGT  
CTTAAGGTAAGAGGGTGATTTAAGACCCTTCTTGCAAGCATATCATTTCTTCTGCAGAGATCAAACTAAAGC  
CACCTTGGGAGGAACATCAATTGCAGAGGTAGACATAGCTAAATTTGTCAAGTGCACAAGCAGGGGTGAGC  
AGATTAAATGAGATATCAGAAGAAGCGGAAGATTTAGATTT

>trans\_c\_4520 Novel Gene

ACAAC TAGAATTTAGGGTTTATGAACGTGCACCCGACCTTTTTCAACCATTTCATCGGCGTTCAAACCTTCGGACC  
GACCAATTTTCGTCGCTGCTCATCGTAGCAGGCTGAAGGATTAAGCAAACAACGCGAAACCAATGGGTTCCAG  
GGATAAAGATTCTACCACTCACCACCAGCCGTTATTGAGCAGCCTTGTTGTCCGACCTTCGAATAGTGACGGA  
GGTGGTGGCGGAGTCGGTGGAACCAAGTGGCGGCCGTGTTGGTTCGTGGAAGCGATTACGAGGCTGGTGAGG  
TTCCCCGTGACCCTCCACAATATTCTCGATTGGGTGCATATTCAGATGATTTGGGTTCGTTATTATTCTACCGTA  
CACCTTTGTCTTTGGTCGGTTTTCGAATTATTATTAAATAAATTGTTGCTCTGCTTAAATTTTTTATATATCTTTT  
GTTCTGGAAAACCTTATCACTGCGTTGAAATTAATCGGTTGCGACCTTAGGTTGGATTGTATTGTGTTTCTTTTG  
GTGGGAAACCTATTTTCAATGATATAAAGTTTATTACGGTTTACAATATAGAGAGGAAAACCAACCTGGAGAT  
TTCTAAAAAATTATGGAATAGGTTAAAAGGCGATTAAAAGTATATTTGTTATAGGGTGAGTAACGTTTATACC  
AAGAAATTTGGTCTGTCGCTGTAATGGATTTAATATAGCTATCAAGAATCGTTACCTTTTGCAGTTAGAGGGCC  
TCTTGCGCTCCTTTCTAGACAAAAA

>trans\_c\_4521 AM075833|Medicago truncatula mRNA for beclin 1 protein (atg6 gene)

AATGGGATGAAATAAATGCTGCATGGGGACAAGCTAGCCTTCTTCTTCATACAATGTGCCAGTATTTCAAGGCC  
AAGATTTCAATATCGGATAAAAATACTTCCAATGGGAAGCTACCTTCGGATCATGGAACATAACAATACATAT  
GAACTGTTTGGACCAGTGAACCTGTTTTGGAGCACACGTTACGATAAAGCCATGACGTTGTTCTTGATTGCTT  
AAAGGAATTTGCTGAGTTTGCCAATTCTAGGGATCAGGAGAACAACATACCGCATGAGAAATGTTTCAAATTG  
CCATATAAGATTGAGAACGACAAGGTCGAAAATTATTCCATCACGCAAAGCTTCAACAAACAAGAGTATTGGA  
CAAAAGCTCCCAAGTATACTCTCTGCAATTTGAAATGGGCTCTCTACTGGTTTGTGGAATACAAATTTCCAG  
CCCCTTTCTGCAATCACCGCATCACACAACGAAGTTCCTTCAGTTGGCTCTTCTATACAAAGCGCGGGGCCGA  
CTCCAAGTCTGACTATAGAAATCTTCGACCAGGTGATGACAAGTTGCAAACATAACTGAATCTGTACAGGAA  
GTCTAGGATTTAGTATCTCTCTCTTTCCTGTGTCCGTGCGCACATGAAGTCATATTCTTTAGAGGTTCAATG  
CTGTTTCTTCACTATCTATTCAATTAGATAGCAAGACAATAGGTTAATGATGCTTGCTTTGTTTTTGAATAGAT  
AATGAATGACCATAATGTCAATTTACAAGAACCTCTGAA

>trans\_c\_4522 XM\_002870958|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family protein, mRNA

ACAGTTGTCTCTGTCACTGAGAAAGAAGGATGAAGTTTTAATCGAAGATCCAAAATTCAGGGAATTTTGGTAT  
AGGAACGTGGAAGAGTCGATCCGGCAGAAAAATGTCAAACCTTTTGTAGAAGAAACCATGCTACTGGTGTCA  
AATTGGGGGTTTAGTTTGGCAGATCTTAGGGTGCAGAGGAAGTGTCAAAGATCTAGCATTCTTCATTGGCTCA  
AATCATTGTACAGCCAAGAACAATGTGAATTGGCAGGATTTGTCTGGTCCCATTTCATATATGGCAGGGAATAGA  
TGATCAAGCAGTTCCACAATCAATGACTGATTATATAGGCCGTATTTTACCAGCAGCCGTATTGCACAAGCTCT  
CAAATGAAGGGCATTCTCATTCTTTCTATTTTGTGACGAATGTCACAGACAAATATTTTCCACCATTTTGGAC  
CTCCTAAGGGGCCAGTCGACAGAAAAAGAAAGAAATTGAAGCTTCTCCTTTAGAAGGAAACATAGATCTTACCGT  
AAAATGATACGTCTTCTCGAATAATACCCAAGGCTTGTCTTCCACGCCCTTTAGCTAAGAATAGCATATTGA  
TTCGCCTTCCAAATGCTGCTGATGTAAATCTAACGTATTTTATGATTGATATATCCTGATTCTCATTGCTTCCA  
CTTTTGAAGTAGGGGATGTTATTTATCCCCCTGCTTGGGACTTTTATATTTAACTGAATTCATGGGGCCGA  
AATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4523 NM\_001065380|Oryza sativa Japonica Group Os07g0134800 (Os07g0134800)  
mRNA, complete cds

CAACGAATTATGCAAAACAATGCTGCTGTTTTCCGAACGCAGGAGACCTTGAAGAAGGTTGCAAACCTAATTG  
ACAAGGCCTGGGAGAGTTTCCATGATGTTCAAGTCAAGGACAGGAATTTAATATGGAACACTGATTTGATAG  
AGACCATTGAATTGGAAAATCTTTTGATAAATGCATGTATTACTATGCACTCTGCTGAAGCCAGGAAAGAGAG  
CAGAGGAGCACATGCCCCGTGAAGATTTACGAAAAGAGACGATGAGAACTGGATGAAACACACTCTAGGATT  
CTGGGAAAATGAGAAGGTCAGACTGGACTATAGGCCTGTGCACATGAACACGTTGGACGATGAGGTCGAAA  
CATTCCCTCCCAAGGCTCGTGATACTGATGATTTTATCATCAAAGCTTCAGGTGATTTAATTTACAATAATGGA  
TGGATGAAGACTACAGTAATATTCACAATAGGTAAGCTATGAGGACGGTAATTATTTAAATTCAGTTGTATCTC  
CAACTTTAAGCAGGTCGTTTTTATGCTTACAAGTAAATTATATCATTGAGCTCAAGCATAAATTCGATCTGCGG  
GACAAAGATGCCCTTGCTTTTTATATATTCTGTCTTGTCTTTGCCATAGCCTACCACATGATATTACTGATTTG  
AAAGCAGATGGACGTTTATGAGCTGCAACCATGTATCAAATCAAGTAGGAGATTTCTCTTTTTTTACCCAATA  
AAGTGTTATGAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4524 BT010619|Arabidopsis thaliana At4g33100 gene, complete cds

TTGGCCGAGAAAATTTCCAAGAGCCGCCCGTAGTTTCAGGCCGCTGTTGCTTCTCGGATGGTCATTTGATGGA  
GTGGTAGTATCTCAATCAATGGGCATCAAGAGAGAGAGTAAAAGCTCCGCTTCTGCAACATCGCCGTGTGCTG  
ATCTCAGGGCTGCTTATCACAATTGTTTCAATCGATGGTACTCGGAGAAGTTCGTAAAAGGTAATTGGGATGA  
AGAACCCTGCGTCTCCGAGTGGCAGAAGTACAGAGCTTGCCTCTATGAACATTTGGATGATAAGAAGTTGAA  
GCGTTTCTTGAAGAGGAAACGCTTGTTTCATTCTCCATGAAATCTGATGGGAGTTAAGGATCAAGATAGTCT  
TCCTTGTTGATGGTACGCTTGAATTCATTGGTTCCTGCAATTACACTGACAGTTTATCTTGTTTGAGGCCATTAC  
GAACTTGAAAACCATGTCTACTGTAATTCGCCATTGTTAGGATCAAAATGGCTGCACATTGAAGTTTAGTTTCT  
ATCTCTCCCTCTGACTGTACCACTATATTAGAACAAATGGAGGGTCTTGCTAATTGTGATTTAACTATTTGAA  
TTTTGAAGAACATCTGAACTTTACTTACTTGGTAGATTTCAACTAGACCAGCTTATTAGGATGACTTATTAATTG  
AAAATCTTTTGTGTTCTATAGTGGGGTCTAAGAGCCATTGTTACTGAACCAAANAAAAACAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4525 XM\_002880056|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family protein, mRNA

ATTTTCAAACATTTATCTCACGACCGAGTCCCCACCCACACACACACACACACACACCGACTCTCACA  
CTCCCATTTAATCAACCCACACACAATTATGGCGGTGGTCGTTATCGACGGATCCACGGTTAGGAACTTCGTCA  
ACGACGAACCTCACTTCAACAAGAGTATTGACGACGCCTTCGCTTCTCTTGATCTCAACAACGACGGCGTTCTC  
TCCCgatccgagctccgcaaggccttcgagaccctccgcctaatcgagactcaacttcggcgctcgacgttgctac  
TACCCCGAACAACCTACCCAACTCTACGATTCCATCTTCGAGCAGTTCGATTGTGATAAAAGCGGTACTGTTG  
ATGCCGAAGAGTTCCGTACGGAGATGAAGAACATCTTGCTCGCTATCGCTGATGGATTAGGCTCCTCTCCCAT  
TCAGATGGCGCTTGATGACGGCGATCGGAGCTTCCTCAAGCAAGCCGCGGATCTGGAGGCTTCCAAGCTCGG  
CCAATCGTCCACCTGATCGCGATTGCTACCGGTTTGCTGGTTCCCTTTCTGTTTCTGCTAATTTTCTTCAGATAT  
GAACATGTGTGTGAATCTGATTTAGAATAAAATAGATCTTTATTCGCCGTTTACGGTGGATGGAATGATCGA  
TTTAGATTTTAACATGTAGAGATTTAGACGATTAGATGAATAAGGACTCTAATGATCAATATTGCTCTAAAAA  
AAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4526 NM\_121456|Arabidopsis thaliana pescadillo-related (AT5G14520) mRNA, complete cds

AGAGCCAAAAAAGAAAGTTAAAGGAAATCACCACACTTACTACCATTGAAGGACATTGCTTTTCTTCATCAG  
AGCCACTTTTGGAGAAATGTAGAGAGATTAGGGCGTATGAAAAGAAAGATAAAAAAGCTGATGCAAAGAAG  
AATAAGAGCGTGCAAACCTTTCTAATAGAACGCAAGCCTACATATCTATCCGATTACTCAGAATAATAAAGG  
AGAGGTACCCAAAATTCATTGATGTACTTAGAGATCTAGATGATTGTCTCTCACTGGTACATCTATTTGCGGCA  
TTACCTGCTCAAGAGAGGTTAAAGGTTGAGGCAAAGCGCATTGATGAATGTGCGAGGTTGAGTCATGAATGG  
CAAGCATTTATTTCTGAACTCATAAACTACGAAAAGTATTTATATCTGTGAAAGGTATCTACTATCAGGCTGA  
GGTAGAAGGCCAAAAGATTACATGGCTCGCCCCGATTCACTGCATCAGATATTGACTGATGATGTCGACTTA  
ACTGTTATTCTTAACTTCATGGATTTTATGAGAACTTCTTGCCCATGTGAACAAACACTTATTTAACTCAATTA  
ATTTGGAGTACCCTCCGATTCTGGACCTCGTTTAGAGGCTTTGGCAGCAGATTTTATGCTTTGTTAAGATTCT  
TCGATGCCAACACCAAACTTCCCTAGTAAACCCTAATTCACCATTGGAAGAGTAGATGCCGAAGACTCTGA  
GCTTAGACTTGCGCAGCTTCAACACCAGCTTCCCTTAAAT

>trans\_c\_4527 NM\_001056537|Oryza sativa Japonica Group Os03g0328900 (Os03g0328900) mRNA, complete cds

AACTTTCTTCTCCAACAGCAACAAAACGATTCTCAAAGAGCTGCCGAGCCGCCGCCGAGCGTTAATGATGG  
GGGAAGATCTACACAAATTCAGTCGGTCCAGTCGGCTTGAACGAAATGAATTCTCGATGAACGGCAGCGCCG  
GTATCATCAATCCGGCGTCAAGACAGATCTACTTGACTTTCCAGCTGATAGCACTTTCAAAGAAGAAGATGT  
ATCGAATTATTTAGCATGTACGGTCCAGTTCAAGACGTGAGAATCCCATATCAACAGAAGAGAATGTTTGGA  
TTTGTTACTTTTGTTTATCCTGAAACAGTGAAGCTCATTTTGGCTAAAGGGAATCCTCATTTTGTGTTGATGCT  
CGTGTTCTTGTTAAACCTTACAAGGAGAAAGGCAAGTCCCAGACAAGAAACAGCAACAAATCGATAGAGAT  
TTCTCCCCTTGTTGAACTCCAACCGGTTTGATTCAAGAGAACTTTATGATCATCTTCAACTTGGGTCGAGAAT  
GTTTTATAATACTACCAAGATCTGTTATGGCGAAGGAAATTGGAAGAACAACAAGCTGATCTTCAAACACTT  
GATCTTCAAAGTCGACGCCTTTTGAATCTGCAGCTTCTTGATGTGAAGAAGAACAGCTTCCCCACCACCACCA  
CCACCGTGCTCTTTCCACCGGCAGCCCAATTCCTTCCCCGACACATTCTCAAACCCCTTGTTGCTCAAAATCT  
CATCTTCCCCGGCATTCGTAGCACACCTCTGCTGCTACAAG

>trans\_c\_4528 HM030734|Medicago sativa cultivar Zhongmu No. 1 citrate synthase mRNA, complete cds

ATCCTCTAATTGAGGTGGCTGTTGCTTTGGAGAAGGCTGCCCTTTCAGATGAGTATTTTGTCAAGAGGAAATT  
ATACCCAAATGTTGACTTTTACTCCGGATTAATATACAGGGCTATGGGATTTCCACCCGAGTTTTTCACAGTGC

TGTTTGCAATCCCTCGAATGGCTGGATACTTGGCACATTGGCGAGAATCTCTTGATGATCCTGACACTAAGATA  
ATCCGACCTCAACAGGCCTACACTGGGGAATGGCTCCGACATTATATTCCACCCAAAGAACGACTGGGACCAC  
TCAAAGCAGACAGGCTCGGCCAGGTTTCCGTTTCCAATGCCTCGAAGCGCCGATTATCTGGATCACCGGATC  
TAGACTATTTGGGATGCATACATATCAAATATATGAGAATAAACCAAATGCATCAAAAGGAAGGCAAAGCATA  
GGTTTGGCCCAATTACACTGCCTGAATATGAAACAACTAAAATGTTACAGATAAGCCCCCTTCCATAAAGAAT  
AAAGGTCACTCTATCATTTATTGATAGGGATTGCTATTGGAAGTTATAATTTCCATCATTTTTGGAGAACTTA  
CGTTCTATTATTTCTTCTTTCCCTTGTAAGAAAAAGTAGTTTTTCTATTATTTATGAAATGAATAGTTATTG  
AAGTTTGTTAGTTGCTACGGTGATGTTTGTGTTGTGATTCATACATCTGTTGTGAATGTAGTGAATCGAG  
AAATAGGTTTGAGAAAAA

>trans\_c\_4529 AY061897|Arabidopsis thaliana AT3g52230/F4F15\_340 mRNA, complete cds

AACTCAAAAAAAAAAACAACAAATCTCATTCTTCCGTCCACAATTTAAAGGCCAATTCTCTCACCTT  
CCTAACACACAGATATTCTCACAAAGAGAAACAAAATATTGTTCCGATTGGGGGAGGCGGCGGTGGCGGAGA  
GGAAGTCGTGATCTTACGACATGGCTGAGAATAAAGAACATATTATCCAAACCCTAAATTGCCAAGTTTTGT  
GCTAAATAATAATCGGCAGAAAGTTGTGGATCAGAAGAAAGAACTAATCCTCCTGAGAAGCCTGACGT  
AGTCACTATTCCGGCATCGGGAGTGGTTTCCCTCCGCCGTGAAGGCTGAGTTCAAGTTCCCTGGGAAGTTC  
TCACATCCGGCTGTCTGTGGCCGTTATCTGCTTTAGGAGGATTTCTCATCTTATGGTGGGCTTGAAAAAATG  
GAGACCTGACGACGACGAAACGAAAAAATGATATTTGATTTCTATATTGGAAGCAATCGATAATTATAAG  
CATTTGAAATTTAATGCAGTTTGTTACTCTATATTATTAGTTTATACTGATTTCGTATGTGATTGCCAATTTAT  
TTATAAATTTGAGCCATGACAATAAGGCTTCCAGTGATATTCTTAATTACTATAATTGTTGTAATTAATTATAG  
TATTTTGATACTTTACGATCATATAAGTAATATGAGTTAAAGAGATAACTCCATCTCACTCGTTGTTAATTCTT  
TTAATAAAATAAAGTCAAAATATCTTAAATGAAAAA

>trans\_c\_4530 BT024555|Arabidopsis thaliana At2g38450 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTGTTTTTTTTCTTCAAACCCAGCAAGAGGGCAACGATTTTCGTTGTAGGAAGAAGGAAG  
AGTTTGC GGCGCTTCAGAATCTCCCATATCATAAGGTCAAGGTTTCGGTTCCAGTAATCGAAGCCGTTCAAGT  
TCAAATACATGGAGATTAGCGGAGGAACAGAGGGCTTGAATCGCGTTCCTTTATCAGAAGTTGTTTCTGATTG  
CGTCAAAAGATGGTTTAAGGACACTTTGAAGGAAGCCAAAGCTGGCGATATCAACATGCAGGTCTTGGTGGG  
TCAAATGTATTATAGCGGTTATGGGGTTCCTCGAGATGCTCAGAAGGGAAGAATTTGGATGACAAAAGCATC  
AAGAAGTCGATCGTCGGTCTGAAAGTTAGTGATAAACATCCAGGCTATAATGCTAGTGATTGAGATTCAGAT  
GAATTGACTCGTGATTCTTAACACACAGTGTTGCTGATTTCTCGATGTCATGTCAAAACAACCACTGGATGT  
GGTTTTCACTGTGGAACTCTACTTGCTCAGCTATCTTTGTAGCTCTACGCATACTTGCTTCTGATTGTTGGAT  
TTGAAGGATGTAATATGCTTTGATTTACCTTTACTCTTCAAGCAATTTCTCGCACTTTCTTGTGGTCAAATTACC  
TAAATCTTATATTCATTTTCAATTTCCCAAACCAAAAGAAAAA  
AAAAAACCAAAAAA

>trans\_c\_4531 Novel Gene

TCTTGCTTGATATTGACCTAAATCCAAAAATCTCGGATTTTGAATGGCTAGAACGTTTGGAGGGGATCAAAC  
CGAAGGAAATACTCAGAGAGTGTTTGAACATATGGGTATATGGCACCAGAATACGCTATAGATGGACAATT  
TTCCATTAAGTCGGACGTCTTTAGTTTTGGAATTCTAATGTTGGAAATCATAAGTGGAGAGAAGAATAGAGGT  
TTTTCCGTCCTAACACGCTCTCAACCTGATTGGACATGCATGGAAATTATGGAATGAAGGAAAACCATTAGA  
GTTGATTGATGCAAGTATTGGAGAATCATATGCTTTATCAGAAGTGCTGAGATGCATACATGTTAGTCTTTTGT  
GCTTGACAGCAACTACCTGAGGATCGGCCAACCATGTCAAATGTAGTTTTAATGCTAAGTAGTGAGAGCTCATT  
GGCACAGCCAAAACAACCAAGGTTTCTACATGGAAAGAGATTCTTGAAGTATTTTCTGTTTCTGGCAAGAAT

GAATCTTCTACTACAAATGAATTAACCTATTACGCTCTTGGAGGCTAGATAATAAAGACTCGATCTACCTTTTTTC  
TCCAACCTTCTACCTAACTTTTTTCAGTGCTTTATATATTGTTCTTCTTGCATTTTCATGTAAAGTGAGTTTTTCAGT  
TTTTACTTTGATATAATTGTAAGATCAAAAGATCAAAAGTTAAATAGATATATATAAATATATATAGCCTTTTTTAC  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4532 Novel Gene

ATCCTCATCCCTCATCGACCTTCAAATTAACCAACCAACCCAGTGGCTATGGATGTTGTCACCTCAAAGAACTC  
CTCTTCTCCGTTTCCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTTGTTCGTTCCCATGGCGTATAGGACGGTCGAGGATT  
CTCCGACCAGTGGTGGGAGCTCATCCAGTCTCCCCCTGGTTCCGTGAGTACTGGCTTCAAGAACGCTTTC  
GATCCTCAAATGAACCTCCGTTTGGTGAAAATGAAGAATTCGTCCTTCCGGATCTTGAAAGTTTCTTCGATGA  
CTTCACTCGTCAACAGGAAGAGGAAGAATTGGAATTCTCGAAAGACTTAGTTCCAATGGGAGCTTTC  
CAGAAAGGCTCGGTCTGGAGCGGAGGTTCTAAGTATGCTCAAAAGGCTCCCAAGATCGTGAACGTGAAAGTG  
AGTCCGAGAACGATTACCAACCGAGATAGATTTTACGCGCCCAATCGATTTGCGTTGGAAAATGTGGATTGT  
CACGAAAGGCACATGAATCTAGGCCATTTATATATTGGTTCGGCCCACTTATGTTGAACAAAAATGACATCAC  
GTGTCATTTTAAGAGATTTTAGTAACATTGTTTTCTATTCTACCTGACATAAATTCCTTTTAAAAATTTGATTATTT  
TCATTCATGTTAGGACTTTTCCACCCATTTGTACAGACACAAAAAAATAGAAAAAGGAAAAGAAGTTTCAT  
TACAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4533 Novel Gene

ACTCAGCGACTGTGGCGTACGGTGCTGAAGATCGCACCAAAAAAATCTTTGGGGTTTCATCTTCAATGGAAGG  
AATCGGATCCAGATTGGGCCGAGTCTCATCCCGGTATGGTCCGGCAGCCACCGTCTTCAATGGCCCCGTCCGC  
AAGTGGAAGAAGAAGTGGGTGTTAGCCTCTTCTCTTCTCCGGCCTCAATTACCAAACCTCTTCTCACTCCCA  
ATCCAACGCTCAGAAGCTTCTCTCTGCCGCTGGACTCCGATTCATCCCCCTACTTCATCGGAAGCTGACGAAA  
CTTCTCCACCGCCTGACGAGCCCCCAAACGCAAGTTCGGTTACACTCCTATTGCTGTGCTGGAGGAGCAGAA  
AAGTGCAGAAACGAGAAGTGTTAAAGATGAAGTTAGAATGAAAGAAATGGATCAGTTGGCAGCGAAGACTG  
CGGCGGCTGTGGGTAAATGAGGCTCTAGGAGAGCTAAATGTCAATGAGGTTTTTAAGGAAGAAACTCAGGAA  
ACAAGCAAGAATCTGAACAGCCACGCGATGGAAGCAGGAACAACCTTAGATTGGCTTTGTGCTTGAATGGT  
CAGAAAAAGGTTCAAGATTCTGCTGGCAAGAGCTCGTAAAATCTGCAAAAAGTGCAGGGCTAAAGCCGGTTT  
TAACCCTATGGACAATGGTATAGCAGAAGTTTTTAGTTTCATATGTGAGTTAGTATCTCATCCCTTGGTAAGTT  
GGAAACATAATGTATTATAGCGACTGTTTGTGTATATATGATCTTAGG

>trans\_c\_4534 AL161556|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 56

AATTTGAATGTCCCATGTGTATCGGGTACAGGAACCATTTGAGCTGTAGAAGCGATGAGACCAGTGCACCTTG  
GGGTATTGGCAGCGGTGGCGGTGGAAGCAGTAGTAACAACGGCGGCAGTCATGGTTACGACAACAATGGA  
GACGGCAGCACTGTCAGCAATCCTGGAATTCAGTAGTACTGCAAATCTCTTAGCATAAGAAGCCTTTTCAC  
TAAGAAAGTGCAATTAACAACCTTGTCTATAAATGAATTTACCGCTTTCACATGTATTATTGTATAGGAATCTCTC  
CTAGTCTCAACTTTTTGCATCTCTATGTGTAATTAACCAAAAGTATTAGCCATCTGAGTTCTGACTGTACTTAAT  
TAATCAGCTCTGTACAGAGTTTTGTTGGCTTTGCCGTAATTCCTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAACCCCCCCCCACCCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCAACCCCAAAAGGGGGCCCCGACCCCAATCCC  
CCCAAAAAAAAAACAAAAAACCCCCCCCCCGCCCCCAATTTAAAAAACCAACAGGAAAAAACCCGGGT  
TAACCAAAAAAAAAACCTTTAAAAAACCCCCCTTCCCCCATGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCAAA  
ACCCCTCCCAAAAAATTCACCCCCCAAAAGAAAAA

AAAAGAAAAGGATAAAACAACAGAATAATGCCTTCTCCTCCTCCTTCTTTCTTTTCAACCACGTTCTCCGC  
 CGAAGACGCCATTGCCGCCCTCCACTCTGACATCCTTCAAACATCATTTCTACCCGTCTCGACGGTGCGGCTTT  
 AACCTCCACTGCCTCGACCTCTTACGCTTCCGTCGTCTCTCCAGCGAAGACCAACTCTGGCGCCGTGTTTGCTC  
 CACCTCGTGGCCGTCCATAACTCATCCGAAACTCCAGCAACTCATCTCCACCTTCCCTTCAAACACCAATCTTT  
 CTTCTCCGACGTATTTCTGTCTGGATTGCTGCTCACTCCGTTGCGACCTCGACTACCGTTATTCCTCAACCGC  
 AGAATTAATCTCCGCTGTCGACATTCATTACAAAAACAACTCCTCTTCTCGAAAGTCCATTCAATCGAAACCG  
 AAACGAATTGGTTTCTGTGCCCTTTCCGCGTCGACCTAATCGATCCAAAGGATTCAATTCCATCGCCAATTA  
 GACGAAGCGAGAAATACGAAGATTGGTTGGGGCATCTAGAGGAAAACCTAACAGTGAGTTGGATAATAATC  
 GATCCAATAAATAATCGAGCGGCGAACATCTCGAGTAGACAGCCAGTGAAAGTGCGAAGACATTGGTTATCC  
 GGGGAGATAACAAGTCCAATACACGACGGTGATGGGCGGGGATCGGAGAGCCGGGTGGGCGGTGGAGATGG  
 TGGAGTGTGCGGTGGTGGTGAGTTGTGGGGAGAAGGA

ACAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAAAAAAAAGGCGCAACT  
TCTCTTTTCCGATCTCAAATCACCCACCGTCTCCGATTCTTTTCATATTTTCTATTCCGCCATGGCTGTTTCTTCT  
CACGCTCGACTCCTCTCCCTACATTTGATTCCCGCTCCTCCGATCCTCTTCTTGCTGATGCGGTAGCGCTGGAA  
GGTTGCGTTGGGAATAATGAGAGTTTGAAGGTAGAGGAGAAGGGTTTAGTTGATTCCAGAACCTCTGTCTTT  
GATTCCGATGGGAGTGTTGCAATCCACGCTGGCGAAAGATTTGGTCGTGGTAGAGCTGATGACGCTATTACTA  
CTCCGGTGGTTAATACTTCCGCTATTTCTTTAAAAAACTGCTGATCTCATTGATTCAAGGAGAATTGCGCTG  
TGAGTTTCGAGTATGGGCGCTATGGAAATCCAACGACAATTGTTGCGGAGGAGAAGATAAGTGCTTTAGAAG  
GGGCTGAATCTACCCTGATTGTGGCCTCAGGGATGTGTGCTAGCACAATGATGTTGCTGGCGTTGGTTCCAGC  
TGGAGGGCATATCGTGACGACCACAGATTGCTACAGGAAGACGAGGATTTTATTGAGACCATGCTTCCTAAA  
ATGGGAATCACGGCCACCACCATTTGATCCTGCGGATATGAACGCCCTTGAAGTAGCTCTGAAAGAGAACAAT  
GTTTCTCTTTTCTTCACTGAATCCCCAACAAATCCATTTTGG

AAGCAACAGATAAGACTGAATTCCAAGCACAGCCATCCATGGCTTCTCTCTCCAGCTTCTTCTCCTTCTCTTAC  
CCTCTAAACCACCGCCCCCAAACCCACCAGCCCCTCATTGCCTCCTCCCCTTCTCCGCCGAATCACGCCGCCG  
CTCAGTTTCAAACACTGAAATCCAGGGATGGATCGGTTGCCCTAAAGCCCCAACAGGGTCCCAACCATTTCGGA  
GCCCTTATCCGCGGAATTGGCCTCCGTTATCTGTCCCTCCCTCGCCTTCGCCAACACAATGTTCTTCAGATCCGC  
TTATAATGTTCAAGTGATTGTGGATGATAATGAACCCGAGGAGCGCCTTCTCAACAGATTCCGGCGAGAGGTT  
ATGAGGGCTGGCGTGATTCAAGAGTGTAAGAGACGGAGATTCTTTGAAAACACTCAAGATGTTAGGAAGCGC  
AAGACTCGCGAGGCTGCTAAACGCAACCGCCGCAGGCGGCCACAGGCAAGATTTACACCACAGAACAAGCA  
GGATGTGCCTGCAACCAAGCAAGAAGCTGATGATGACAACTGGGATTTACCTGAAGAAGAGGACATTCCTTA  
TTAACTTGATCCGGAAGTTCGCCCTCACCAAATGTTTAATGTTTTCTGATTATCTTTTGATTTGGGGAGCTGTT  
AATTCTCTGTAATGTAAGTTATTTTCATGTAATATCTTCTTTAGTTAAGAAGTTTTTGCAATATTTCTTCGAAC  
AAATAGAAATGATCATTCTTTTATATATAATACTGA

```
>trans_c_4538 EF067844|Hordeum vulgare vrs1 locus, complete sequence; and Hox1 gene,
complete cds
```

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGCAAAGCTTGACGATTTCACTTCTGCAGTAGTGCACAAACCATTTCATA  
CATAACATAACATAACAAAGTAGCCAACAAGCTGGAAAATAACATAAACATTACAATATTTGCTTCACTTTCTT  
GTAACATAATAATAAACTGCCCTTCAAAACAGAAAGTGAATGCAAATTACCATCCAACTGATATGAAAA  
GAAAGAACTAAATGAAAAGAAAAGGCTCCAACGACCAACAGTAGGACTCTGAGAGTATACAGCTTTCAAAT  
ACAATGATAAAACAAACACAACTGGACAAAGGCTTCTAGGAAGAAAACTCGATGGTGACAACTACCTCCAC  
AGCAAACCAACATGCAACTGAAACCATCACCTGAACTCTCCACCCTTACGTTTTCTATATACCGCTCTGCTCC  
ATGTGGTCAATGATCTCGTGGAAGGCAACAAACCTTGCAAAAGCCAGTAAGAAAGTTCATACAAGACAGGT  
ACAAAGATGATAAAACCAAGAGGTAATGAACACAGGAAAGTCATAACTATCACTATCCTATCCCACCTTTTCTT  
TCAAAAAAAAAACTGAAAAGGCAGCTGAGAAGGAATATTTTCTTCATAGTGTGAAGCAAAGGAGTGAAGCT  
ATAAGATTTAGAAGAGGTTAGAGAAAAAGAAAGGATTGGGGATGTTAAAGAAGAGGAGAGATTGAGCTGTC  
GAATAACAAATTCATCAGGGACAAGGAACCTGACCAATAAGT

>trans\_c\_4539 L34291|Pisum sativum ribulose-1,5 bisphosphate carboxylase large subunit N-  
methyltransferase (rbcMT) mRNA, complete cds

CCGAAGGCCTCGGACTGGCCACCACTAAAAACCTATCCAAGAACGAGGTCGTTTTGGAGGTTCTAAACGATT  
CTGGATAAATCCCGACGCCGTTAATGATTCCGTGATTGGCAATGTGTGTAGTGGGTTGAAACCATGGATTCT  
GTTGCTCTGTTTCTGATTAGAGAAAAATCTCAACGGGGACTCTCGTTGGCGACGCTACCTCGATATTCTCCCCA  
GGAAACCGATTCCACAGTGTTTTGTGCAGGTCTGAGGAGGAGCTTGCAAGATCCAAGGAACCCAACCTTCTG  
AGTACGACTTTGAATGTAAAAGAATATGTTAAGAGTGAATTTCTCAAGGTTGAAGAAGAGATATTGCTCCGCC  
ACAAAGATCTATTTCCATCACAAATCACACTGGATGACTTCTTTTGGGCTTTTGGGATACTCAGATCAAGGGCA  
TTTTACGACTCAGAGGCCAAAACCTTGTTTTGATCCCCTTTGCGGACTTGGTCAACCATAGTGCTAACGTAAC  
CTCAGAAGAACATGCATGGGAGGTAAAGGACCGGCAGGTCTCTTTTCATGGGATGTCCTATTCTCTCTCCGC  
TCCCCACTTTCTGTGAAGGCTGGTGACCAGGTGAAGTATTAATTTCTACGTAATGACTAATAGTTGGAGTTTT  
GCTTGTTGAAGTTTTTATTCCAAATCTATAATTTATGTGTAGTGAATAAAACATGAGACAAAACAGGACAAGAC  
AAGATAAGGGGGCATTGTTGATCTGATCTTTTCATGAGTAA

>trans\_c\_4540 AY054492|Arabidopsis thaliana Unknown protein (K19M22.18) mRNA, complete cds

AGCGACACAGAGAGAAGGCCACAACCAAACTAAGAGAGACGCCAATGGCTGTCACCAACAGAACTGCGAT  
CAGTCGAGCCCTAGATTTCTCTAGGTTATCTTCTTCTTATCAGAACCTTCACCTCCTCTTCGCCCTCAACCTCC  
TCTTCCAACCCCAATGCCTCGCCTTCTTCATCTCAAACCAACGGAGGAAGAAGAAGAAGAACTCTTGAAG  
TAATTCAGTTTTTGCCCAACTGGGGAGTTGGATACCATGTCGCCAAATCTCACTGGGATGAAATTCCTACAG  
ATCACCAAAATCAATCTCTACAAGAGTGGCACGCACGGCAAGGCATGGGGCATTGCTCATAAAAATGGCATG  
CCGATTGTTGAAGCTCCAAAGAAAATCAGCGGAGTTCACAAGCGCTGCTGGAAGTATATCGCTAGCTTGCCAC  
GTTTGGGAGAAAGCAAAACATCAGCTGAAGTTCAGACTTCATGACTGCAGAGAAATCTCAGTTGCTGATTCTT  
TTTGGCCAACCTTATTTCTGGTTCAAAGAGTTTTGAGGTGTTCTTTTATCGGGGAGCTATATAAAAGTACTC  
ATAAAAAGACTATTGCTTGATTAATATGGTTGTGTTAATTGGAATTGCTTTCAAACCTGTAATTTGTAAGATTG  
TTTAGTTGGCAATCCCAATTTTATTTTATCTTTTCTGTTTTATGAGTTTGACATATAATCTAGATTTGGTATTTGA  
AAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4541 NM\_001071334|Oryza sativa Japonica Group Os10g0465800 (Os10g0465800)  
mRNA, complete cds

ATTTTGTGAGAGAGTGTGAGAGAGTGTGAGAGAAAGCTTCATCCTGCTCCAATCATGCCGGCCGGCCATGGA  
CTTCGATCTCGTACCAGAGACCTCTTCGCCAGGCCTTTCAGGAAGAAGGGTTATATTGCTTTGACTACCTACTT  
GAGGACATACAAAATTGGCGATTATGTCGATATCAAGGTGAACGGCGCCGTCCACAAGGGTATGCCTCATAA

ATTTTACCATGGTCGCACAGGTCGCGTATGGAATGTTACAAAGCGCGCCATCGGTGTCGAGATCAACAAGCA  
GGTGGGGAACAGAATTATTAAGAAGAGAATTCATGTCCGAGTCGAGCACGTGCAGCCTTCTCGATGCACCGA  
GGAATCCGTTTGAGGAAGGTGAAGAATGACGAGCTGAAGGCCGAAGCCAAGGCCAAAGGTGTAGTCATTT  
GCACCAAGAGGCAACCGGAAGGCCCAACAGGGTTCATGGTTGAAGGTGCTTTAATGGAGACTGTGACTC  
CCATTCCATACGATGTGGTTAATGATCTCAAGGGCGGCTATTAGAATTTCTCCTCTTTGAACCTTTGCCTTGTT  
TCGTCACTCTTATTTTTGTTGATCTTTGAACTGCTTGAATAGTACAATTTCTCATTATGCTTCTAAATTTTGA  
TACCAAACCTTATGGAATTGAATTGTTTCTTAGTTTCTGGTTTTGGCCATTAGCATAAAACAGTGTAGTTTTAGCT  
TATTCAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4542 NM\_001057130|Oryza sativa Japonica Group Os03g0595200 (Os03g0595200)  
mRNA, complete cds

TGGTGGTGTTAATTGTTTCCCCTTCCTCCTTTCTGGGCTTTAGCGCCCTGTGGCCACTGAAATCGATGATCGTCA  
GTGTTCAATGGACCCGTCGTCAGTGCAGAAAAGCTCCTCCAGCTGAAGAAGATGAGTGGGACACTGATGGGTT  
CGTGATTCCCAGCTTGGAATAGAAGAGACAGACCAAACTAGAGTTGGCTCTCCAAAAGTAGAAATTGAAGA  
ACCTCCCCCAAAGGTTAAAGAAGAGACGACGATTTATCTTGGCCACATGGCGCGCCACCATCACAGTCGAAA  
CAAGATTTGAACCCCAACATCGTAAGCAACGGTTAAAGCTGAAATTGAAGGAAGCAGACCGGAGGACCACA  
ATGGGACGAGAGAATAAGTTGGAATAATACGAGAGCTTGAGGTGCTGGAAAATCAAGCACCAATATGACT  
AAGGGTTCTTCTAGGGACTGGCTTGACCCGCACTGCCATGAGGCTGAGTTCGAGAAGTAATGTCCACAGAGA  
TCAAAGTATTTTATAAGACAACCTTAAGAAAATTAGCACAGTTTTTGAGATAAAGATCCGATCGGTCTGTTTTATA  
AGTCTATTAACTGTCCTTTCGAGACAAATGTTCCCTTCTCTATATTTACATAAAGCTGGGAGTTTATAACTATA  
ATAAGTTTTGCATTGGAGCTTTGATGGCATAAATGAAGCAGCTGCTTACAAAGCAGAAGATTTGGTGAAGCTA  
ATTCATTGAATAATTATACTCTTCCGAACGTCTTATATCTTACA

>trans\_c\_4543 NM\_001187473|Oryza sativa Japonica Group Os05g0387600 (Os05g0387600)  
mRNA, complete cds

TTTTGTTTTCTTCTTTGTTACATTACAATTTTCTCATTGAGCATCGGGATTCCAATCTCTTTCTCTCTCCTTTTC  
TCTTAAATAACCATTTCAATTTCCAATCTTCAGAAGGGTAGCAGAATTTGCAGTTCCGGACCTCAAACCTTTCGAA  
AAAACCCATCTCTTAAATGCCAAGCAGAATCGGTTTTTCCATCTTCAAAGCTCTGTGATTCCAGAATTCGATTTG  
ATGGGTTACCTTTCTTGCCGAGCGGAATCTGCAATTTGACTTTGAATTCGTTAACCCCATCGTCTTCTACCAAT  
TCCTCGCATAAATTAGAGAAACCCATTAAGATCCAACAGTTTGATTACAGTGATCTTGAGGCCGCCACTAATG  
GGTCTCTGATCAGAAGCTTTTAGGCAAAGGTAGCCATGGATATGTGTATAAAGCTGTTCTTGGTGGTCGTCT  
TGTGGCGGTGAAAAAATCCTCTCGAGCTCAGGTTGTTGCTCCTCCTACTCGTCTGCTTGTGCTCTTC  
AATGGCTTCTTGTGAAATTACCAATGAAGTGGACAATGAGATCGAGATTTTGTCCAAAATCCAGAGCCCCAGA  
TTGGTTAATTTGGTGGGTTTTACAAATGATTCCAAGGATAGGCTTCTGGTGGTTGAATTTATGAGCAATGGTA  
CGCTTTGTGATGTGATTCAATCGGGTTCGAGACCTCTTATTGGGGTCGAAGGATTGATTAGCTTTACAAACT  
GCTAAGGCTATTGAAACTCTCCATGCTTCA

>trans\_c\_4544 AY054680|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g51400; MFG13.11) mRNA,  
complete cds

GGAGAAAGATTAGCAGAAGGGTCGATTTATATTTGCCCATATGGTTTGATTCTATAAGTTTGAATATAAATT  
GTTTCTTGATTTTATTGATTCTCTTTGCCGGTGGACGATTTAGATGGGTGATGGGGCTGCGCCTTCTCGGT  
ATGTGAAATTGAAGAAAGATCAAGCGCCTTTGAAGATATCAAACCAGGGGAGCTTAACCAGCCCATTGAAG  
TTCCTCAGTTAAATGTAAGAAAGTGAACGAGTGTGGACAGCCACTACCTGAAAGCTTTGAGCCTCCAGCGGA  
TGAACCTTGGAACACTGGGATTTTTGGCTGTGCTGAAGATCCACAAAGTTGCTGGACTGGGCTGTTTTGTCCA



TGTGTTTTGTTTGGCCGAATGTCGAAAGCCTGAGAGACGATGATATGGATTGGACGAGGCCATGTGTTTGTG  
ATGCTATATTTGTTGAAGGTGGCATTGCCTTGGCGACAGCAACTGCAGCGTTCATTGCATTGATCCAAACACA  
TCATTTCTCATTTGTGAGGGATTATTGTTTACCTGGTGGATGTGTGGCATTACACTGGACTCGTCCGCCAATCT  
TTGCAGAAGAAGTATCATCTTAAGAACTCCCCATGTGATCCTTGCATGACACATTGCTGCCTGCATTGGTGTGC  
TTTATGCCAAGAACACCGGGAGATGAAAGGACGTCTAGCCGATAACTTTGCGGTGCCCATGACAATAGTTACC  
CCCCACCAGTTCAAGAAATGAAGTCAGAAATGATGAT

>trans\_c\_4545 BT004737|Arabidopsis thaliana At5g24165 gene, complete cds

GAATTTGGGCAAAAATAAACAAATAGGATTGGTGAAACCTGAGATGGAAGCATTAGAAATTTAGAAAGAAAA  
GTGAAATTGAAGAGAGTTGGAGGAAAGAGTAAAGCAGAGGAGGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAA  
GAAGAAAATGGGAGTAGAAGGGCATGTTTTGAAGCGAATTCCACGGATTAAGTTCCCTGATAGACACCCGAA  
ATCATCCTTACCTTCAGGTTCTGCTCTCCAGTCTCAGCACAACCTCCGATAAGGACATTGGCTACTATGCACTTTC  
AGGTTCCAATGTGCCAGCACACCCCAAAACACGGCTGTGGGTGGTAAAGCATCGCTCCTGCCGAAGCGTAC  
GCCTGTCTCGGACAGAGAGATTGAGGCTATACTGTTGGGTGGATGCTTTTGATGTTTCCCATCCGATGTCATG  
GAAGGATAGCATAGCGATTATTCAGTATCGGGTTCGTTATCCTTGTTATCCAATAACATTGTTCTAAACATTT  
GTTGCAAACTTCTGCATTACCTGAAAAGATATCAGAATCATCTTGATTCGATTCCTTCTTGATGAGACTGTT  
AAACCTTGCCTGGGTCGAAACCAAGCAGAGACGCTTCTGCTTCTTCTTGCTCCTCTTATAGATTGTATC  
CATCAACGACCCCTACAAGGAATATGAAATGAAAAAAATGGAATGTTCTTAAAAACATATAAGAACTTGGC  
CATTGTGATTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4546 Novel Gene

AGTCATTCCATTGGGGATTCGCTCAAATTCACCAAAATTCAACTCTTCTATTTCACTCTCGTCCGCAATCTG  
AGAAGAAAGAAAATGCCGCTGAAGGTAGTGACGCCACCCTCTCGACTTCAATGCTGTATTCGACAAATCC  
GATCACAACCTGCCAAACAATAAAGCTAATTTATCCTCTTTCTAGCCGACAAAGATCCTTCCACCTCTCGCAGCT  
GGTGTCTGACTGTGTGAGAGCTGAACCAAGTATCTACAAAAACTGGAAGCAGCATCAGATGATACTGCAC  
TTTTGAGAGCCTATGTTGGAGATAGACCTACATGGAGGAATCCCCAGCATCCATGGAGAGTGGATTGTAGGTT  
CAAGCTTACTGGAGTTCCAACGCTGGTTGATGGGAGGAGAACGATAAGATCAGTGGTCGCCTGAAGATCA  
TGAAGCTCATGTGGAACAAAATTGATGCCCTTATTGCTGGTAAATAATTGTTGGCGTCTGTTGATAAGAC  
ATGGGAAGTACCTTCCCACTTAGTATATTCATCGTTTTCTGTTCTTGAGGAACGTTTATGTGACCTCTGATAG  
ATTGGTTGACGATTATATAGTTATCTCATGAATAAAACAACCGGAGAGTTTCAATCACCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAATAAAACCGATTGAATTGAATCGAATTGAACGAAAATCCAGTTTTTACTAAGGGTTCTGTTAA  
AAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4547 BT004535|Arabidopsis thaliana At1g07990/T6D22\_5 gene, complete cds

GCTCAGGCTTGGTGATGATCAAGGAAGTCTATTCACCAACTCCAATTGGTTCGCATTCCAAGACGACAGAGTT  
AGTAGTGAAGCTGCAGGCACAGCACCACTGAGAGGATGGATGAGATTAATCTGAATGGATCTTCTAACGGT  
GGTAACAGCAGTAGTGATGATGAGGTGGTGATTGGCGAGGAGGAGATGACTGTGAGCAAGAATTCTGTGAT  
TGACACTTCTGTTCCAAGTCCGGGCTTCTAGTAGATTTCTGAGGCTGAACCTGCTGGTGATGGCATCTCGA  
ACTCTGGGTCGAGTGCATCTAACGATTTGGGATTCTTCAGGTTTGAGACACCAGATGCAGAGGACGCATATGG  
AGACAGGCCTCTGCCCCACTGGGTAGGATGGGGAGAAGCATCAGATTTGCAAGTTGGGGGCTCAAGTATGA  
ACCCGTTTGAGGACAGTGATAAATCTGATATCAATGATTCCTCTCAAATTGAATTAGCAGCTCCTAATGTCAAC  
TCTCCAACAAGAGAAGCCTTCTTCCAATGGCTCTCCAACACAGGATCAAGCGATGGATCAGAGGGCA  
GTGATCATAGTCAGAAACTACAGCTGTACCCTCATTATTTGAAGAGGATGTTGAGTTCGTTGGTGTGGAATT

AGAAGGCACTGAAAAGGCTATGGAGCAGGCCCTCAAGGAGGGGATTGTTGGGGAAGCAGGTCCACTGAAG  
AGGAGCGTTGTCCCTAAGGTGCCAGAAAAGGAGAATTCCGATGAGAATG

>trans\_c\_4548 EU401726|Capsicum annuum chloroplast ferredoxin mRNA, complete cds; nuclear  
gene for chloroplast product

CATCTCATCTCCAATCCAACACAAAAACAAGAAGAAAAATGAGCAGCACCACTGCATTACCTCCCCATTTCGG  
GCCACCTCCTTCCTCCGTCGGAATCCTACCGGTGGAGTGAGCCTCAAGCCATTTCCCAACATGGGTGAGTCTCT  
GTTCCGGGCTGAAACACCGCGGCGGACGAGTGACGGCGATGGCATACAATGTGAAGCTCATAACCCCAAGAAG  
GAGAGAAATCGATTACATGTCCTGATGATGCTTACATTTTAGATGCGGCTGAGGAAAATGGGATTGATCTTCC  
TACTCTTGACAGAGCAGGGGCTTGTTCTTCATGCATTGGGAAAGTGGTATCAGGGAAATTGGATCAATCTGAT  
CAGAGTTTTTCTTGATGATGATCAAGTAGCTGAAGGTTGGGTTTTAACTTGTGTTGCTAGGGCTGAGTCTGATG  
TTGTAATTGAGACTCACAAGGAGGATGTCTTTGCTGGTTAAACAGAGGAACAAGAAGGGATTAACTTTTTT  
TTTCTTTTATCTTTCAATCTTTGTTGATGAGAGTAAGCATAATGGACATTGTTTTCTAGCTTCATGATGATGAT  
GATGGGATCTCTCTTTTAAGTGTTTGTGAAAATTGTATCGTTCATCACTGGTTTAAGTTTATTTACATAACTT  
GGGTTTTGTTTATCTGTTGTTGGGTTCTTTACTTTTCACTTTCTTTTGGCTTCTAAAACGTTAATCATACTGTCTTTTA  
GCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4549 NM\_113899|Arabidopsis thaliana NLI interacting factor (NIF) family protein  
(AT3G29760) mRNA, complete cds

ACAGTGATGATACATCATTAGGGCCTGGTGGTGATCTTCGTACTTATTTGGAGGGTGTTTACGCGGCAGAAAA  
TGTTCAAAAATATGTTGAACAGAATCCATTTGGTCAAAAACCCATATCTGAATCTAGTCCATCTTGGAATTCT  
ACCGTAAGATTATAGAGAGTGAGCAGGAAAGATGATGTAGGTGTTTATTGGCTCACATATGAAGTCCGCTCT  
AACTTCCCAAGTAAATGTAGCTTTTATGATCTGGAATCGTTTCTGCGACACGATTCCACATGCTGGTGATTAG  
TTCTCATGAAGGACGTGGCCATATATTTAAAAATTGGTTCACATGATTATTTGCTATATAGTAGTTCATCCTCTG  
CCATAGTTGGATAACCGTTGCTTAGCTTTCAAGATTAGAGAGAGCCAGACCTTTGATCCCTTCTATAAACTTCA  
TTAGTTTTATGTTTCTTTGTGGCCAATTTTGTCAACTAATCCGGTGAGTACAGATTACCGTTTTTCTTAATGATA  
TTTACTTTTAGTTGTACATTACGAGCACACACAGAGTTTTTACTTGCTAGAAATACGTAAGTAGAAATTGAGTTT  
ACTCTAGTCAAAATGTTGCATTGTATTTGTAATTTGTATAAACGTTTACGGCTTGCAGATTGAAATTTGTTTCTG  
ACGAGGGATGGAAGATTCAAAGCAATGATCTGACAATGTAATTTCACTTATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4550 NM\_101949|Arabidopsis thaliana emb1507 (embryo defective 1507); ATP binding /  
ATP-dependent helicase/ helicase/ nucleic acid binding / nucleoside-triphosphat> (emb1507) mRNA,  
complete cds

TGAAAAAAGTTGATTTCGTAGATTGATTAATCATCAGCGATTTTCATTGAAAATCCGAAATGCACAGACCCAC  
ATGTCAAAGCAAATGCTTTGCTGCAGGCTCATTTCTCAAGGCAATCTGTTGGTGGTAACTTGGCATTGGATCAA  
CGAGAGGTAGTCATTTAGCCAGTAGGTTGCTGCAGGCAATGGTGGATGTCATTTCAAGCAATGGTTGGCTG  
AGCCTTGCCCTTCTCGCAACGGAAGTAAGTCAAATGGTAACCAAGGCTTGTGGGAGCGGGATTCCATGCTTC  
TCCAGCCACCACATTTACAAAGGAGCTAGCCAAGAGATGCCAAGAGAACCCTGGAAAGAACATAGAGACAA  
TATTTGACCTGGTGGAAATGGAGGACGATGAAAGGCGTGAACACTTTCAGATGTCCGATTGCGAGTTGCTGG  
ATATTGCACGCTTTTGAATCGGTTCCCAAATATCGATATGGCATATGAGGTACTAGATGGTGAGAAATGTTGC  
AGCAGGAGAGAACATAACACTGCAGGTTACACTTGAGCGTGATCTTGACGGGAGGACCGAGGTTGGGCCTG  
TGGATGCTTTAAGGTATCCCAAAGCCAAAGAAGAAGGCTGGTGGCTTGTGTTGGCGATACAAAGAGTAACC

AGCTACTAGCGATTAAAAGAGTTTCTCTTCAAAGGAAGGCAAAAGTCAAGCTTGATTTCACTGCACCTGCAGAT  
TACTGGAAAAAATCGTACACCCTTATTTTCATGTGTGAATCCTACT

>trans\_c\_4551 BT006255|Arabidopsis thaliana At5g55710 mRNA, complete cds

ACGATTGGATTTCAAAATCCATTTCTTCACAACTTCAATGGCGTTTCTTATCTTAAATCTCTCTCCCAAAACCCTC  
CATTCTTCCTTCTTCCCCTCCCCATTTCCCGCTCTCTCAAACCCCCAAAACAACCACCCTCAATTTACCACCACTCT  
GCGACGGCGAGGGCGAGGGCGACGACGCATATTCACCGTCCGATCCACTGGCGACAACAACAACACTCTGC  
CGATGGCCCCGACCGCCTCATCTCCGCCATCTGCTACTTCTACCCCTTCTTCGACGGCGTCCAGTACGGCAAGT  
ACGTTATCACTCAGTACACTCCATTTCAGGTTCTGATTCAACCTTTAGTTCGGCAATTTCGTGTTTTCAAGAGCT  
TTCCGTTGAATAGCTTTTTGGTGTGTTTTAACTCTTACTTCGCCGTGGTTAGAAACCCTAATTTCAGTCGGTATG  
TTAGATTCAATATTATGCAAGCCATTGTTCTCGATGTGCTTCTGATTTTCCCCGATCTTTTGAGAGGAGCTTTA  
ATCCTAGAGGGGGAATAGGGTTGGATTAGTGATGAGTTTGGATAGTACTGTGTTCTTGTTTCTTTGATTGT  
TTGATTTATGGGTCTTCTTCTGCTTGGTGGGTCAAATCCCTCGATTGCCCATTTGTTGCTGATGCTGCTGATAGA  
CAAGTTATGTGAATTTTTTTTTCTTCACTTCTTGAAAATGAATCAGTTTAACTATTGTTCTTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4552 XM\_002866440|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata BCL-2-associated athanogene 7  
(ATBAG7), mRNA

CCACCATTTTCAGACCTCTCCACAAAAACCAAACCTTCCCTTCTCCAAAGTGCAGATCTATCACTTTCAATTCAA  
ACCCATTTTCCCTTCTCCTCCATTAGCCTTCTTCCACCTTCAAACCATGAGCAGGTTTCAGCAGATTTCAGTAGATT  
CCAGTCCATTGACCCCTACTACCCCACTGTCTCTTCTTCTTACCGATGCCGAAACCTCCATTATCCTCCCCAAA  
CCTCTCTCATTCCCTTCCAATCCTTCGTCGAGGAAGTTGATGATTTTCGATTTGCCTTTGACCTCTTATCCCATC  
GTCCTCTTCCACCTCCCCCTTCCACGTCTTCGATTCTTACCGATCTGGTTCGATCGACGAAACGCCGTCTGT  
TTTCGTCTTATAGTCGGATTTCGGAGAGTTGAGCGATCGAGTGATGAGGTTTTGTTGCGGAGGCTTAGCGATCG  
AGTTAGTGAGCTCGAGGCGCGGTTTGATCGGCTGAGTAGTGCGAGGGTTAGTGGGTATGGCGATCGGAAGT  
ACACTTGGACGAAGGAAATCAAAGGAGTGGAGAAGAATGGTGTTCGATCGGAAGTATAAGTTGGTAGCTGAG  
ATTAAGATGGGAAGAAGAACAAGGAGGGGAAGAATGGTGGGGTTTTGCAGAACTACAAGTGGAGTGCTG  
AGATTAAGGGAAAGGATGAGAGGGATCCGATTAGGAAGTACACTGTGGAGGTTTCGAGTGGAAATGGAAGT  
GAGAGTACAGAGAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4553 NM\_001074166|Oryza sativa Japonica Group Os11g0256200 (Os11g0256200)  
mRNA, complete cds

CAGAAAGAAAAACCCTAAACCCTTTGTTCCCTCTCTCCGTTTTTCAGCGGATTTTCTCTGTTTTGGGTAATTTGGA  
AGGAAGAAGATGAATCACATAGCAGCCATGGAAGAACAAGTAGTTTCTGAGAGAATGAGGCAGAAGCTTAA  
CGAAGTTAACGCGGCTGCACAATCTCATCTTGGTCCTATTCAAGACCATGTCAACTTCTCCCTTCAGCAAGCGT  
ATTTCAAATGTGCATATGAGTGTTTCGATAGAAGAAGAAGGCAGGAAGAGATTAGTAACTGTGTTGAGAATT  
GTAGTGTTCCAGTTGTTAAAGCTCAGCAACATGTTGAGAATGAAATGTCTAAGTTTCAAGAAAGATTGAACAG  
ATCACTAATGGTGTGTGTCAGGACAAGTTCGAAGCAGCCAGGCTACAGCAGAAAACCTGGGAGTGTATATGATTT  
GGAGTCGTGTGTGGATGCATCAATACAAGAAAGCTTGAATACACTGCCACATCTTGCTAACAATTTAAAGCT  
TCCTTCAATATTGGCAACTAACGCATTTTCCATTATTGCTTCAAGAGGCAGCTGAGTATAATAAAATCATTGCTT  
ATTTTGCTACAACCTATTTTCCAAATTTCTTTATTTGTAAGTCTAATCTTTAGGAATGTCATGGATTCTTGCTA  
AGTTGATCCCTGAAACTTGAAATTTTCAACAACACTCTGACCCATTTATTGATATGATAGAATATAAGAATGAGT  
TGTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4554 NM\_122523|Arabidopsis thaliana ChaC-like family protein (AT5G26220) mRNA, complete cds

AGACTCATAACACAGTGGCAGAGAGAAACGCCATACCCTTTCTTCTCTTCGGCTAAACGTAATCCGTTTAGCT  
CTTTTTTCGTTTCTTTCTTGCTTGCTTCTCCAACTTTCCGTCTCTTCTCTCTGATTTTCTCTCTCTCGATCGGA  
TCACAGGAATTCTCCGCTTAAATTCGTCGGAGTTCTTGGCATCATCAATTGAATCATGGTTCTTTGGGTTTTG  
GCTATGGATCTCTCGTATGGAATCCAGGATTTGATTCGATGAGAAAGTGATAGGTTTCATTAGAGATTATAG  
ACGTGTGTTTGATCTTGCTTGATTGATCATAGAGGTACACCTGAAAATCCTGCTAGAACTCTCACGCTAGAAC  
CCAAAGAAGGATCAATTTGCTGGGGTGCTGCATTTTGCATCCGTGGAGGTCCTGAAAGAGAGAGAGAGGCCA  
TGGAGTATCTGGAGAAGAGAGAGTGCAGTACGATCAAAAAACCATCGTAGAGTTCTACAAGGATGAAGACT  
CCATGGAACCCACATTGACAGGAGTTTTAGTTTTCACATCTACATTTGATAAAGTGCTAAACAAATACTATCTA  
GGACCTGCTCCCTTGAGCAAATGGCTAGCCAAATTGCAACTGCATCTGGTCCATGTGGGAACAATAGAGACT  
ATCTATTCCGTTTGAAAAGGCCTTGTTTGATATTGGCCACGAAGACGATATGGTGATTGAGCTGGCAAACGA  
AGTGAGGAATATCCTTGGGAAAGGTGGGAAGGGG

>trans\_c\_4555 NM\_001055095|Oryza sativa Japonica Group Os02g0822500 (Os02g0822500)  
mRNA, complete cds

AGGATCCTTTTCGAGGATGACATATCGACCTACCCACAGGGCCTTGCTTAGTTCTCGCACAGATGATAATAGT  
GTTGTTGTTGGCCCCACATCAGAGGCAGCCGTTTGCGAGCATCATCTGCTACTGGGGACGAGGAGGTGGAT  
CTTCTGTTGCCCGGTACTGCAAGACTCCAAATCCAACCTAGGAGTGAACATGCCTGCAAGAGCAGAGCAAATTC  
CAGGGAAAGAAGAAAAGCAGATGTTCCACGAGGCTTACGATGTCGTTCTATATCTGGGTATCATCGACATTCT  
ACAAGAGTACAATATGAGCAAGAAGATCGAACATGCATACAAATCCATTCAATTTGATTCAATTGTCCATTTCTG  
CTGTGGATCCTACCTTCTATTCCAAACGTTTTCTTGAGTTCATTATTTCAAGAGTGTTCCCTCAAATGCCCGGG  
CAAGTTGAGAAATTTGGCTCCATAATGGCATATTCTTACGAATCAGTTTCTCCTCCGGAAGTTTCTACTGCAA  
GAGATGGAATTATAAAAGGATTGAAGACCGGAGAGCCTTCGTTTTGGAATTGTGGAGAGGGGGGCTGGGTG  
ACAAATGGCGATGAGAGAGACCCAGGTTGTGCAAGTGCTTTACAATTCTCAGGCGTTTTCTGTAGATTATTTT  
CACACTCTTTTCCACGTCCTAACATAAACTTTTGCAGTTTTTCTCGTAGAGAGCTAATTTATACTTCCATTCATGT  
TGAGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4556 Z28373|N.tabacum mRNA for pyruvate kinase (plastid isozyme)

TCAGCCAAAGCCACTTAGGTACAGTAGTCTTAAAGTTAGGCAGACCAAGTGGGAAATTCAGCAATGGCGCAGC  
AGATCATCGTCGTTCCAACCTCCATGGTTATGTAACCATCAAACCATCACCATTTTTATGCTGTCTATAACTCTGA  
AAGAATGCTGCATCCTCTTCGATGGATGACCAAGTTCGACCTCATCCTGAATTTCCCAACACCTCGAACAGGTT  
CGGACAACCTCTCACTTCATTTATTGAAAAGGAGAAAACCTTTTTCTAAATGGCATCATTTCTGTTACTCTTCTCT  
GAAGAATTACCGAAGGGGGTCGGAATTTTCTCTATAGCCTGCAATGAGAGGAATAATGAGGAATGAAAATGT  
TGGCTCTGTAGCACATGAATGAAATGCGGATATTCTGCCAAAGGCTTCGTGGGCTCAGTGATGAACAACCTCAA  
GAGAAATGATAGATGATGATCAGGTTTGTAGATGATACTTATAAGATATAGCTATTTGTATTCCATTTCTCTTC  
ACTCATTGATTAAGCATAGGCATATGGGGATTAGAAATAGTGCAATTTGTTAGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTG  
TTGTGTAATCTTTAATATTAACACATCTATGTAATCCAACCTTCTGCTCATCATAATTTAGGGAGGAAGAAGA  
AATTTGATTATAAAGTAAAAATGGCATCTACCCATTCATGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4557 NM\_129205|Arabidopsis thaliana zinc finger (C2H2-type) family protein  
(AT2G36480) mRNA, complete cds

TGAACTTTTTGAAGATTTTTATAGTCAAGAGTTGGGTAATTGGATGTACAAAGGAGCAACGTATATCACCATCC  
CATCAGTGGGTAGCGAGGTTGGAGGTACAAATGAACAAGTTGCTAAAGGACCTATTGTACACACAACCTTGTTT  
AACGGAAAGTTCAGTATATGACGTGGGACTGGCAACTGATATTAAGATGGAAATGGATGTATGATGCTTCCC  
CTGCAAAGCGTCATGTCGGAACACTGACACTGGCAGACATTCTACTCGTGCAATTGGCGGGGGGATGAAAAAGGG  
AGTATGGATATGAGTGCCTCACTCATGGTAGTTCGGTTGATTACCAAAGGAGATAATAGGGAGTGGTAGCTC  
TATACTGGTATTTTCTAGCTTCCAGATTCCTTTTTGTTTTCTTTTTGTTCTTTTTTCTTCTAAAGATATATAGTTG  
AGAATACATCAATGCAATGATCATTTTCATTCAAGATCTTTACCATCTTGTTTTCTCAGCAAATTTTCACCTAACAC  
CAAATATATCTGTTGATGATATAAATGAGGCAGTGCAGTCCAAGTCTTGCCGCTTGGCATCTCTATATCCGCA  
AGCCTTTGTATTATCAAAAATCGATCATACTAGCGTGGTTATGTTCAACCATCATCTTTTCTCCTTGATTTTTTGC  
CTTCAATTTAGCTATGGATACATATCATGTTAGACAGCAAGGGAGAGTTGTTTAAGATTCTCTAGCTTTTTGA  
AGAGGGTTGTTCACTTATCTTGCGGGTCTGG

>trans\_c\_4558 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCATTCTAATTTGAAGTTCAAAATCGCTTCATTAATGTTTCAAAC  
GGTACAAGTAAAGGCTAAATACATCTATCTTAATTAGTCCAGAATATACAAAGGAAAGAGACAAAGGAAAAG  
CTTGAGTTACAAATCTGTGTTTGGTTATGGATCAACACAACTCAATATTGTAAATCTAAATTCACTACTAA  
ATCTGATTTACTTAAATCACCTACTAAAAAGTAAAAACCATTACGGGATGAAACAATGAACACCAATTTTGCAA  
TAGTAAAAATGTCAGTTTAATTCTTCGATACCCATAATACATCCAAAACCTCTTTCTTCTTGTATTTTAAAGAT  
AACCTTTGTTGAACCAACAATAATTTAAAAACAACAATGCAAATATACATTACTGAAAAATTATTATTAAGTCA  
AACATTAGAAAGGATTGAAAATCATAAATAAACTGGAATTTTGAGGAATGATTGAAATAAGGAACCATCA  
GAATCACCAGATTTTGGCTAAGTTATGTAAAATCTACTCAGGAGGTCGAGAGTTCAAGTCCCACGAGAAACAG  
TAGTAGTAATAATAATAATAATAGTGATAAATAAATAAATAAATAAATGAGAAGGAACCATCAGAGGCCAAA  
ATTAATCCCCAGTAGCTTAAAGCTTTTCCGTCCGCATCATGGTCGCATCTCCGAAGAAGACGCCCCATCATTTG  
GTTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATA

>trans\_c\_4559 NM\_001064261 | *Oryza sativa* Japonica Group Os06g0507400 (Os06g0507400)  
mRNA, complete cds

ACTTCATCCTGAAGTGGGCTAGAACACAGTATCCAAAGTTGGAGGAGAGACGAGAAGTGTTAGGGGCTAGA  
CTTGCTCGTTATATTCGATTCCCCTTTATGACATGTCGAAAGCTTAAGAAAGTTCTGACTTGCAATGACTTTGAT  
CATGATGTTGCTTGCAAACCTTGCTTGAGGCCCTTTTTTTAAGGCAGAGGCTCCTCACGGGCAGAGAATTTT  
AGCTGCTGATGAGGCATCTACCTCAAACCGCCGCTTCTTTATCGAGAGAGCTTATAAATATCGTCCAGTCAAG  
GTTGTTGAGTTGATCGTCTCGGCAGTAGTGTGTGGTATACCTGGACCTAAAGCGGGAAGAGTGCGCAAAT  
TTGTTTCCGTCGGGTAGAGTGTATTCTCAGGCATTCCACTTGGGTGGATAAGGGTTTTTTTCTTTCGGCTCACT  
GCAACATGGATCAGCAAAGCTCATTCCATTGTTTTGGGCTTTTCTTGGAATGCAGGAAAAAGGATCAGTATC  
TTTTGCAGTTGACTATGAATTTGCTGCAAGATAAAAGCCAACGGAGGAGTTCGGAAGCAAATATAAGGGCAA  
TTACACGTTCACTGGAGGCAAGGCAAGTTGGGTAAAGAACTTGATACAATACCATGGACTTCTTTCATGGC  
GGAAGACAGTCACTACTTTATTAATGGAGTCCTCATCTTAGAGCTGAACTTACCATCAGGAGCTGAACTTTCA  
TTGACCACGATAAGTTTGATTTGTTTTGTTTCTAAAAAGTA

>trans\_c\_4560 XM\_002871883 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* zinc knuckle (CCHC-type) family  
protein, mRNA

CGGGGCAATAGTGTCTTCGATGCCCTTCACGGCCACAGTTTTTACAGTAAAATTTTACTCCTTTCATTGCACTGC  
TCCGCTTTCTACGGTTTTCTGGGTCACTAAAGAATGCTTTCAAAGCCTCAGAAGTACGTTTTCTTGCTTCAGCAC  
TTCCTTTGGCTTTCTTAATTGCAGCCACTCTCTGAGCATGAAGAGCAGGGTCACGATGGATAATCCTCATTCTC

TTACTAAATATACTTTTAATGATCGACTGATCTTTAAACCAACTTCAGGAGGAGGTGATTGGTAAACACGCTTC  
GATTTCTTCTTTCTTCCAGCTTTATTTCCAAGTTATCAACTTCATCATCCTCCTTCATTCTTAAAGGAGAACTTTC  
CATTACACACAGAACAGTCAGCACGGGATCTTTCAATTCCACATTCCGTACAAGGCGCATAACCCCTACCTCGG  
CAACTTGGACATGGTAATTCTTTAATATACTGACCATTTGGGCCAAACCAGGACCTGGGTTCAGGTGCGCTAG  
AAGCTGAATTCTGAAATGCACAATTAAGTCTACGCTCTGAATTCAAATCTAAGAACTGGGTTTTAAATCGAC  
GTCAAGTCCGTACAGCTCCTCGGCGGGATCGAAAGCCAGCTGCGAAACCAGAAGAAGTAAACAAAATGAGTG  
TAGACGGTCGAAATCCAAAACAAAAGATGAGGAAGTGAATACCGGAGCAGGTTTGGGTATTGCAACAGAGT  
CGTCGCTTTTCAAGCAAGCAACGAAGCGAGGT

>trans\_c\_4561 AY103614|Zea mays PCO151328 mRNA sequence

AAACTTTGTGGAGCCGACAATTGTGAAATTTCTCCAAATGCCAATGTTGTTAAGGAAGAATTATTTGCTCCAG  
TTCTTTATGTCATGAAGTTTAAGACTTTGAAAGAGGCAATCGAAATTAACAACTCTGTTCCGCAAGGGTTGAGC  
AGTTCTATCTTCACGCGTCGACCTGAGATCATCTTCAAGTGGACTGGGCCACATGGGAGTGACTGTGGTATTG  
TAAATGTAAACATACCAACAAATGGAGCCGAAATCGGTGGTGCTTTTGGAGGAGAAAAAGCCACTGGAGGTG  
GTCGTGAAGCAGGAAGTGACTCGTGGAAGCAATACATGCGACGCTCAACTGCACCATCAACTATGGGAATG  
AGTTACCATTAGCACAAGGAATCAATTTTGGATAGAAGAAGGGGTTGTTGTTTCAGCCTCCTTGTTCCAGCTTT  
GTTGACTGAGATGTGATTTGCCTTTTGGAAAGGGAATTTCTGCCAACTAAGAGAGGGAGTTTCCTTCACAATCT  
GGCTGTCTCCATCTTAAATAATAAAAAAGAAATGTCTTCATAGGATAAAATAAATAGTGAGATTTAGTTGTTG  
AAGACTTGAAGTTGATACTAATGACTTGTCAATTAATGGCATTTCACAAAGAATAATATGAATTATTTTTGG  
TTTTAGTATCTGATTCAATAATGTGAATTCTCTATTCCATTCTTGAAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGG  
ACAACAAAATTCATACAACGAACGTAAACAAGCTAT

>trans\_c\_4562 NM\_118796|Arabidopsis thaliana sucrose-related (AT4G26620) mRNA, complete cds

AAAGGGAAGATTGTAGATGAACTTTGGAGGGGCCAGATGGGTTTATCAGAGGAAGAACAGATGCTAAGCCT  
TGAAGTGAAGTTCGTGCAATCAGTGGGACTAATGGCCACAAAAGCAAGGAAGAGCTGGCACAAATCGAGAC  
CAACGATTCAAACCTCTGATCCCTATAGATCTCGGGCTGAGGTTGCAGCCTGCTGTCAAGGAGATGGAGATGGT  
TATTCCTCTTGCTGTCAGAATCCAAAATCAAGAACAGTAATTGATTCAGATACAGACAACATTTCTCCAAA  
TGTTGTTACTGCCAAGGGCAACAGAAAACTAACTTCACGAAGCAATAGCAGCAAATCATTTTCCCGTAAGGTT  
TGCGCAATGCCAACATGGCTCGAGAGCTGGGAGCGTGAAGACACATATGCCGTTGCTGCTGTTATCTGTGCTG  
CTGTTTCAGTTGCCTTCGCTTATCGGTGCTACAAGCAGCTGTAACAATGTAGTTTGTGAGAAGAAGCTTCAGTC  
CAGATTTTAAATTGTGCTTGTGTTGACGTGATTTCCGGTTGGTAGATGAGCGAAAGATATAAGAATTTAGGAT  
AATATTTCTTTTCTGCGAATCTTACAACTCTTGAATTTAAATGGAGTTGGAGTGAAATTAGATTGAGTTCT  
TTTCTGTGTAAATTGAGTTCTCATAGCAGTACTTAAATAATGATACGAATGGCACTTGGAGCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4563 BT010634|Arabidopsis thaliana At5g38700 gene, complete cds

ACCAAAATTAAGTCTCAAACTCTCTACTTTTACTTCCCCACCTCCCTTCTTCACACATCAAAATTAATCATTTTTC  
AACTCTCTTCAAAATGCAAAACAAACGACACACCAATGTGGGTCGTAGAGCATGGAATCTTCTACGTTTAGCA  
ATGATCTGGGCAAGAAAAGGTGGAGTTTTCAAGCGAAGGTTTCTCATGGATCTCCGCTTGTCCCTAAGTTCA  
TTAAGAGTCTCGGTCACTCCACCCCTCGTGGTCGCCACCTACATTATGGCGATCATGAGCTTCTTCGATGAA  
ACCCCGTTTTTTCATGTCAAGATGCATCGTCTGCTCACTGCGCTTTCATTCCCCTGCATTACTCCCAAGCG  
GTTGACTTCAAATATGAGTTTGACGCCAATGCTGATGACGACGACGACGACGACGATGATGATGTTAGT  
GAAGTTTGTAGTTCTGATGACGAGCGGAGGAGTTCGGGATATGACGGTGGAGAGGAACGAGAGGATGATGA

TGAAGAAAATGGGATTGATTTGAGAGCTGAGAAGTTTATAGCTGAGTTTTATGAACAAATGAAAATGCAAAG  
ACAGATTTTCATTTTCGCAATATGACAAAAATCGACTTTGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG  
AGTTTTGAGAGTTTTGTTTCATAAATATGTATACGATAAGATTCGTTTGATAAAGTTTTTGGGTCTTTTTCTTCT  
TTTTTTGGTTTTGTAAATAGAGGAAGTTTCGAGT

>trans\_c\_4564 Novel Gene

AGAAGAAACCCTACTAGGGTTTTTATTTTCCACCCAATCCAATTGACGGGATGATAATCCCCTAATTCCCATCCC  
CTCAATTTTCGTATTACCTTCGTACTTATCCATTTTCCGTGCGATTCTCTCTCTCCCGGAAGATTATGTCTGGAAG  
AAATCGAGGACCGCCCATCCCCTAAATGGTCTGCCTCATGGTAGACTACCACCAGTTCGTGAACCTCCTTTTG  
CTAGAGGTCTTGGGCCATTGCCACATCCAGTGCTTCTTGAGGAAATCAGGGAATCACAGTATGGGATGCATCC  
AGGGTCTCTTCTCCACACCCTGCAATAATCGAGGAGCGTCTTGCTGCCCAACATCAAGATATTCAAGGTCTTC  
TTCTTGACAACCAGAGGCTAGCTGCAACCCATGTTGCGCTTAAGCAAGAACTAGAAGCAGCCCAGCATGAGTT  
GCAACGCATGGCTCATGTTGCCGATTCTTACATGCAGAGAGGGACATTCAAATGAGAGAATTATATGAAAA  
GTCAGTAAGACTAGAGGTTGATATGCGAGGAGTTGAGACTATGCGAGCAGAGCTTCTTCAAGTTCATTCTGAT  
GTCAAGGAATTAAGTCTGCAAGGCAGGAGCTTAATGGGCAAGTACAAGCAATGACACAAGATCTAACTAGA  
ATCACTGCAGATTTGCAGCAGGTCCCTGCTTTGAGGGTAGAAATTGAACTGTGAAGCAGGAATTACATCGTG  
CAAGAGTTGNCATTGAGTATGAAAAGAAGGGATATGC

>trans\_c\_4565 EU676040|Zea mays cultivar H21 SnRK2.8 mRNA, complete cds

ATCATCATCATTTTCATCATCTTCTTCTTCCCCACTAAAATTTGTAGTTAAAAAGAAAAATCTGTCCTATTCCCAAT  
GCTGAGAAGAAGTTTTTTGGAGCTAAAAGAAAAACACAGAAATAGAAAGAGAGACAGAGAGAGAGAGAGAG  
AGAGAGAAAATTTCAATTGATTACGAGCTCTGATCATCATCATCAATCAATCGATCAATCTATCCACCG  
CCTCTTTTCAGAAACCCTAGAAACCCCGATTGATTTTTACTTCAAGTAGACAGATGATAAAGGAATTTCTCAG  
TGTGTGATTTTATAAATAAACTTCTCTCCGTTGCTTTGCTGATAAATTAAGGCAGTGAAGTTTGGTAACTTTT  
ACGTGCTCTGTTCTTTCCCTTTCCCATTCCTCATTTCACTGGCTCTCCTCGCGCCACAACATCAATCATTTTCTT  
CTTCTTCTCGATTTTCTTTTTCTTTGCGTACTGCTTCGGAACTTCTTTCCACGAAGCGGATTCATATAATTC  
TCAGAACAAATGGATCGCTCCGCACTTACTGTTGGACCAGGAATGGACATTCCCATCATGCACGATAGCGATC  
GTTATGAGCTTGTGCGGACATTGGCTCTGGAACTTCGGTATTGCTAGATTGATGAGGGATAAGCAAAGTGG  
AGAGCTCGTGGCCGTCAAGTACATCGAGAGAGGTGAGAAGATAGATGCAAATGTGAAGCGAGAGATAATAA  
ACCACAGATCTTTAAGGCATCCTAACATTGTC

>trans\_c\_4566 Novel Gene

AGGATACCCACTAGTCTGTCATTAGAAGTTCACCGAAACACCAAGAAGGAAGAAAAAGAAGAAGAAGA  
TGACGCTGGGGCTTATCAATGCGAATCCGGTGGTTCACGCCAAGAAGGAGCGGATCGCTCGCTCGGAAGACT  
TCCACGGTGACGACGCTGTTGATCCTCTTGAAATCTACGACTTCGTGAGGGATATTAGAGATCCGGAGCATCC  
GTATTCGTTAGAGCAGCTTAGTGTTCTCTCGGAGGAATCGATCACTGTGATGAGAAGTTAGGGCGTATCCTG  
ATAACTTTTACTCCGACTATTACGATTGTAGTATGGCGACTGTGATTGGACTCTGTCTGAGAGTGAAACTTAA  
ACATTTCTTCTCCACATTACAAGGTTGACATCAAAGTGTCTCCAGGATCACACGCAAATGAAGACTCAGTTA  
ATAAGCAGCTAAATGACAAAGAAAGAGTTGCAGCTGCAATGGAAAATCCAAATCTGCGTCAGCTTGTAGATG  
AATGCCTTTATTCCAGTGAGCTCTGAATCAAATCAATTATCATCGTCCAACGGGCCAAAATGAAGTTCAATACA  
CTATTGGGTACTTCAATTTTGATCCAAACAAACCATCTTCTCATCAAATGGGGAGGTACATGAGTTAATATACC  
TATCCATTTATTTGCTATTTCTCCCTGTATATGTGAATGAACTTATCTGAATTACTAATATATTATAGTTTAACGT  
TTCTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4567 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TGACAACGAGAGCGCGCCCCTGATAATTGCGTCGTTGTGCCTGGGCTGTGAGGGCTCTCAGCCACATGGATA  
GTTCAATGTGCTCATCAGCGCCTGACCCTGAGATGTGGATCATCCAAGGCACATTAGCATGGCGTACTTCTCCT  
GTTTGAACCGGGGTTTGAAACCAAACTTCTCCTCAGGAGGATAGATGGGGCGATTGAGGTGAGATCCAATGT  
AGATCCAACCTTCTATTCTCGTGGGATCCGGGCGGTCCGGGGGGGACCACCTCGGCTCCTCTCTTCTCGAG  
AATCCATACATCCCTTATCAGTATATGGACAGCTATCTCTCGAGCACAGGTTTAGGTTGGCCTCAATGGGAAA  
ATAAAACGGAGCACCTAACACGTATCTTCACAGACCAAGAACTACGAGATCGCCCCCTTCTATTCTGGGGTGA  
CCCTCCCTAGCGCAACCCTAGAAAATACCAGGAGTACTCCCCCGGAGGTCTGGAGAAAGCTGCAATCAATAG  
GATTTTCTTAATCCTCCCTCCCGAAAGCGAAAGGAAGAACGTGAAATCTTTTTCTTTCTTCCCGAGGGACC  
AGGAGATTGAAAAAGGATCTTAGAGTGTCTAGGGTTGGGCCAGGAGGGTTTCTTAACGCCTTCTTTTTCTT  
CTCATCGGAGTTATTTACAAAGACTTGCCATGGTAAGGAAGAAGGGGGGAACAAGCACACTTGGAGAGCGC  
AGTACAACGGAGAGTTGTATGCTGCACACGTGTTCTGTCA

>trans\_c\_4568 DQ227992|Eucalyptus grandis thioredoxin h mRNA, complete cds

GAGAGCTTCCATTACTCCTTCATTTCTTCTTCTTCTTCTATAAATGGACCCATTTACATTTGTATTACTTCAATT  
CAATTTCCCTGTTTCGACGACGATCTTACAGGGAAAACCAATTCCAAGTTATTACTCTTTGCTCTAGTAATTTA  
AGATCCAACATGGCGGAAAAGAGCCAAGTGATTACGTGCCATACCGTTCAATCATGGAAGCAGCAGCTCCTC  
AAAGGGAAACAATCTGATAAATTGATTGTCGTGGACTTCACCGCTGCATGGTGCGGTCCGTGCCGTGCCATTG  
CTCCGGTTTTTGTAGAGCTGGCTGAGAAGATGAGTAATGTCATTTTCTGAAGGTCGACGTTGATAAATTGAC  
TACTGTTGCTGCGGAATGGGGAGTGAGTGCACTACCTGTTTCATGTTCTTGAAGAATGGGAATGTGGTGGAT  
AGGTTTGTAGGTGCAAGAAAAGATGCATTGCGGAAGCTCGTATTACACCATGCCTAATCTAATGGGGAAACG  
CTATGCTGAGGAGATAACGACCATCTGTTTTTTTCTTGGATTTTCGATCAGAACCAGAAAAAGGTTTATGCAAC  
TTTTGTGAGTTGCTATAAATTAATGCTTTTTAGTTAGCACAACTTTGATTTTCTTGTTTAGGATTGTTCTTAAAT  
CATTTTTACTATTTCTCGAGGCTAATGAATGAGCATCTATTCTTTTCTTGAATAAAAATCAACACCTATTTTCAGT  
TACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4569 XM\_002870861|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata macrophage migration inhibitory factor family protein, mRNA

AAGAATTCACCTGAACACAGAAGGAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGATGCCTTGCTTAACATTTCTACAAA  
TGTCAGCCTTGAAGGTATCGACACCTCCTCTGTTCTCTCCGAGGCTTCATCGACCGTTGCCAAGATCATCGGCA  
AGCCAGAAAACCTACGTAATGATTGTGCTGAAGGGATCAGTACCCATGTCATTTGGGGGCAATGAGCAGCCAG  
CAGCATATGGCGAGTTGGTGTCCATCGGTGGTCTGAACCCTGATGTCAACAAGAACTGAGTGGTGCAATTG  
CTACAATTCTGGAGACCAAGCTATCTGTTCCCAAGTCGAGATTCTTTCTCAAATCTACGACACCAAGGGATCC  
AACTTTGGATGGAATGGCTCCACTTTCTAAGTTACCTTCATCTATTAGCTCTTGAAATTCCCACTTTTATATGCT  
GGGACGTACTTATAAGGATTTGGTATTGTTAACTCGCCGTATTATATTGAGTTTTATCTAGATGACCTGTGACT  
TTTGGTCATGAATCATAGATCTAGTTATTATCTACCAAGTTCTAATGGGTATTTTTATTGGTTTATCACTCTTAA  
AATTTTAATCATTTTAAAAGGCATGCCTAAATACCTAAAGAAGTTTGCAGAATATACCTTTAATTGTTTTTTGTT  
TTCTATTTTTGTCTTGTAAATCGCCTATCATGTGATGACAAACAGGAAATCTGATTTCAAATCTATTCTTTGA  
GAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4570 AF262997|Ricinus communis NADP-dependent malic protein mRNA, complete cds;  
nuclear gene for leucoplast product



AACCCTACGTCGCAATCTGAGTGTACAGCTGAAGAAGCTTATACATGGAGCCAGGGCCGAGCAATCTTTGCCA  
GCGGAAGTCCATTTGACCCTGTTGAATATGATGGAAAAGCTTTTGTGCCTGGCCAGGCAAACAATGCTTACAT  
ATTCCCTGGATTTGGCTTGGGTCTGATCATGTGCGGTACAATTCGTGTGCATGATGACATGCTCTTGGCAGCTT  
CGGAGGCTCTGGCTGCCAAGTGAGTCAGGAAAATATGATAAGGGTTTGATTACCTCCTTTTACCAACAT  
CAGAAAGATATCTGCTAACATTGCTGCCGAAGTTGCTGCTAAGGCTTATGAACTTGGTCTGGCTTCTCGTCTTC  
CTCGACCAAAGGATCTCGTAAAATTTGCCGAGAGCTGCATGTACAGCCCCGCTACCGTAGCTACCTTTAAGC  
GAATATTGTAGTTTCAGTCCACCAAAAATTTCCATCATTTTTTTGTTTTGTGTAATTTGTTGTTTTAGTCCTGGC  
ATTAGCATAGGACATGCCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTTTGTTACTTTTCTTTTATCTTATTGTTGTG  
TTTCTGAAGTTGTTTATCTCTTATGTAACATTCATTTGTTATTAGATTGAGTAAAATGCATTAGGCATTTTCAACT  
AAATGAAATTATTTGTGAAAAAAGTAATAAAGAATAAAGCAGCTATTGACTGCTTGATCTGATGTGACCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4571 AJ630654|Cicer arietinum mRNA for pyruvate dehydrogenase kinase (Pdk gene)

ATAACAGAGTCGTTAGCTTGAAGAAACCTTTCAACTTCGCCTTCTTCTTCTTCTTGCATGCCGGTTTTTCTCCCA  
TTTCTTTGTGGGTTTTTCGTTTTGGGCTCTCTTTTTTTAGCCATGGCGGCTAAGAACTCTGTGAGTCCTTCTC  
CAAGAGCCTGATCGACGATGTCCAGAAATGGGGTTGTATGAAACAGACTGGGGTTAGCTTGAGATACATGAT  
GGAGTTTGGTCCAAGCCCACTGCTAAGAATTTGCTCATTTCTGCTCAGTTTCTCATAAGGAGCTTCCAATTCG  
GATTGCTAGGAGAGCTATTGAACTCGAGAATCTTCCTTATGGTCTCTCTGTTAAACCTGCTGTTTTGAAGGTTT  
GCGATTGGTATTTGGATTCTTCCGTGACCTTCGGTCCATCCCTGAGATAAAGAATTCTGATGATGAAAAGGA  
GTTTACACAAATGATAAAGGCAATTAAGGTGAGACACAACAACGTGGTTCCAATGATGGCTTTAGGTGTTCAA  
CAGCTTAAGAAAGGCCTACGTCTAATAATGTTGGTTATCAAATCTTCATGAGATTCATCAGTTTTTGGATCG  
CTTCTACATGTCAAGAATTGGGATTCGCATGCTCATTGGACAGCATGTGGAATTACACAATCCCAATCCCCTTC  
CTGACTGTGTAGGATATATACACAAAAATGTCTCCTGTGAAGGTTGCGGAGAGTGCCAGTGAGGATGCTTC  
GTGCAATCTGTTTACGTGAGTATGGCAGTG

>trans\_c\_4572 XM\_002300518|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA904), mRNA

AATCAGAATTACCCACACCAAATGAAAAACGCGGGGATGCGGGGGCCGTGAACGACAAGTTGGGAAACACT  
GTTAGCAGCATCGCAAGATTCCGCCAAAAGTTCTCCTCAATTCTTCTTCCGGCCACCGATTTCGCACCAGTTC  
AGTTGGTTCAGCTGTATCCTCCAATTAATTACTTCGAAGCTAGGACAATGGTGGAGCGTAAACGCCAGTAGCT  
CGTGACACCTTTCTGTGGCTTCAGCTAAAATGCGCTCCAAGGATAGGATTCATACTTTTATGATGGGGACGT  
GGGAAGTGTTTACTTTGGTCCAAATCATCCAATGAAGCCACATCGGCTTTGTATGACTCATCATCTTGTTCTCTC  
GTATGAGCTTCACAAGAAGATGGAAATTTATCGTCCCCACAAAGCATATCCTGTGGAACCTTGCTCAGTTCCATT  
CAGCTGATTATGTAGAATTTCTGCACCGAATAAATCCAGATACTCAACACTTGTGTTGCTAATGAGCTATCTAAA  
TATAATCTTGAGAGGATTGCCCTGTCTTTGAGAACTTGTTTGAATTCTGCCAAATATACGCTGGTGGAACAAT  
AGATGCTGCACGCAGACTAAATCATCAACTATGTGATATTGCAATAAATTGGGCAGGTGGCTTACATCATGCT  
AAAAAGTGCGAGGCTTCGGGGTTTTGCTACATCAATGACCTAGTTTTGGGGATATTAGAACTTCTAAAATATC  
ATTCTCGTGTGTTTATATATTGACATAGATGTGCA

>trans\_c\_4573 NM\_120224|Arabidopsis thaliana LMBR1 integral membrane family protein  
(AT5G01460) mRNA, complete cds

AGCAACAACATATTCTGGAAATGTAGTGCGCATTGTCCACGTTTTCTCTGATGAAGCACTGGTCGTGAATGCT  
GAACACTGCCGGGCACCATTTCCAATGCACGGTTGGCTGCTAGAGAAATCCCATGAATTTGGAAAAGAAGCC  
GTGTTTGAAGAGAGATGCATAACCGTAAAGTCAACTTCTCCAACAAGCCCGTATAAAATCCCAACAGAAGAG  
CACAAACAATGGCCATTACCACAACCCATATCAAGGCGCTCTTGATCCGTTTGCCAATACCCTTGTCTGGTCT

CCTTCATAATAGAACATAGCGAAAGGAATAATGAAGAAAACAAGCACCGCATCCACAATATAAATAGCAAGC  
CATAGATCCTTCATCGGCAATGTGAGATTACAAGCGCCATTATACAAAGCATGTTTACAAGCCTGCCGTTAG  
CAACGTCGGCTGGTAACATCAAAATGGAGATCAACGCAACAGACAAGCCGAAAACAACAACAAATTTAGGAA  
AATACGCCTGGTTTTTGTGCATCAGGATGCTGATAATTAACCAAAAGGTAAACATTGAAGATGAATACAATAAC  
ACAGACGACAATAGCTACAATTACAAGAGCGAGATTGAAATCGCCCATTGTTACGAGCTCTCGATTGCAATT  
CGAAACCAGTACGAAATCGAATCGAAGAGATCGAAGAAGAACAAAAACAAAAAGACAATCTGGCGTCGT  
TCCTCTTTCGCTTCGAAAATTCGAAATGGAGCTTCGCGGATCT

>trans\_c\_4574 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

AGATTTACAATTTGTGATTTTTTTTAGGTGAAGCGAAATCGATTCGAGAGATTTGGTTATGGCATTGTAAAT  
ATGGGATTGTGAACTTGGGAATTCTCAGAAATTGAACTTGGAACATCAACAGTGGAACAAAAGGGTCGGA  
TTTTGGTGAATTGGGGATACATTTCTTAAGCGAACTTCTTTTCGAGTTCGTGGCTTATCAAAATCGGTTGT  
CGTTTTGGGATGTTGAATTACGACATTTGGATTCTTGATTGGTAGTATATGAAGATGGAGTTTGTGCATTTACC  
TGGTTAATGTGTTGGTAATTGAGGAGGTAGCTTTAAGTGAAATTTATAGAAAGTAGATGGCAACTTCGAGTGA  
GAGATGGATCGATAGACTTCAATTATCCTCCTGTTTTGGCCTCCCCCAGATGATGACCAGCAAAGAAAGGTTT  
AGTGTCTGTCATATGTTGAGTACTTGGGTGAGTTTACATCAGAACGATTCTCAGAAGACATTGCTGAGCTGATT  
CGGATCCGTTTCCAATCGAAGGAAAAGCGCTGTTTGATGATGTTTTAGCTTTGTTTCTTCATCATCCCGA  
GAATGGGCATGCTATTATTCTTCCAATAATTTCTTGATAATCAATGGCGCCCTGGAATATAACAGAAACGATC  
CTCCATTTGCGTCTTTTATATCCTTATTCTGCCCTGGCATTGAGAACGATTATTCTGAACAATGGGCCCTTGCAT  
GTGGGGAGATTCTGCGGATCTTGACTCATTA

>trans\_c\_4575 BT006546|Arabidopsis thaliana At1g53560 gene, complete cds

ATTCGCGCCGACGGTTTCGTTTCTAGAGAGAGAGAATGAGCCAAGAAGACAAATCCGCCGCTGTGGGTGTGCG  
TCCACCACCATCACGAATCCAATTCGCCCATCCTCACTACGGAACCTTCCACGGCGTCGCTAATTCTCCCCC  
GTCGGATTCCCTCAGCCTACTCGCCCGCCTGGACTCTCCGACTCCCACCATCCTTCTCAATACCAGCACCATGCT  
CGCGGCTATCAAGCTGTACCCGGATATGCTATTGTTGAAGGAAGACCAGTGAGAGAGCCGCCCTTCTTGCT  
GTGGCATTGGCATTGGGTGGTTCCTGTTTATTATTGGTTTCTTCTTGCGGCTATCCCATGGTATGCTGGAGCA  
ATTCTTATACTATGTGGCAGGGTTGACTACCGTGAGAAACCAGGATATGTTGCCTGCTCAATTGCTGCTGTTAT  
TGCCACACTTGCAATTATATTCGGTGCAACAAGGGAAGCTGATGTCTGGTAACCAATCCTAACTTAAAGTATT  
GTACAGTTTGCAAATATGTATGAACTGACAGAGCCCATGGGCAAGCTTAGTTCCATTGAAACCTGAATCTGTG  
AGAGCCTATCACTACAAGAAATTACACTTTTCCCAATGGATAAACTCATTGGGAAAACCTCCGAAAAGCTTCTG  
GAAAATTTCTCCCGACGCCACATTGGGCATTGTCATGATCGTCAGGAAAGATTTCTCGGGAGAACCTTAATTT  
CTTGTTGTATACATTTTGGTTAGTGGTTGTT

>trans\_c\_4576 Novel Gene

AAAAAAGTTATCCCATGAGGGAATTTGACCTACAAAAGAGAATCCATTCTGTTCTTCTACAAAGCTGCAGAGTT  
GTGCTTGGTCGGTATAACTGCAGGAGCAGCTCAAGGTGTTTTGTCCAATTTTCTCTCAAGTAAAAAGCAGGAA  
AGGTTATCTGTATCAGTTCCAATGTGAGTACCAATGCTCTCGGGTATGGTGCTTTTCTCGGCCTCTATGCAAA  
TCTCCGGTATCAGTTACTATGCGGTTTTGACAGAGCAATGATCAATCATTTTGATGTTATTGGAGTCGCTCTGT  
TTTTAAGCTCTGCAATGAGGGTTTTGAATGTGCAACTAGGAGAAAGATCAAGATTGGCTTGGCTTGAATAGA  
GGCAGATCCATTGGTTCAAGGGAACCTTGCAAGAGGTTTACAACCGACCTTCTGAAGACATTAAATCAG  
TCTTCTCGAAATGGTTTATTTCAAAGAATGCCATCATTTCTGGCCTTGGACTCCTCGGTCTCAAACAGTCTGGT  
GCTGACTCTGTCTCTGAAGGTGAATCAGTACCCAAAGCACGGAGGAAGAGAATTGTTCCGAGAAAGGTAACG  
GCAGGTCGTCGTGATCTTTTATCCAGTTAATGCATTGTTCAGTACCCCCAGTTTTGCAGTATGACTATAGATTT

GGTGCAAAGTTGCCGTATAAATCTTTGATAAAAGTTAGTTGATAGGTGGATAATATTCTGTCCTTTGATGTAAC  
CTCGTGATCCCACTGGAGAAATTCATTTAAAGC

>trans\_c\_4577 AY104910|Zea mays PCO110806 mRNA sequence

ACCATAAACAAAGTTTCTAGGCGCCATCCCATCGCTTCTCATCTCTCCGATTTTGTTACCGTTTTCAAACGTGA  
AAAGCAAATGGCTGCAGGCAGGGTGGCTCATGTCACTACAAGGACCGAGTGTTGTCAAGGAGATATTGAC  
AGGAATGGGACTTGCTTTGTTTGCTGGTAGTTTTTGAAAATGCATCAATGGAATGAGCAGAGGAAAGTGAG  
AGCTTTCTACGATCTACTGGAGAAGGGTGAGATCAGTGTCTGTTGATGAAGAATAGATCTTACACTCTTACT  
CTTATCCTGATATTATGGAACACATTCAAAAGCTTGTGTTTATCATTTTTATTTTTATTTTTGAAAAACCTCTTG  
TATTGCTCTTGGAACAGAGATGACATGTTTACGTTTTGCAACAATTTCTGCAAATAAGAGATGAGTGAGACAG  
ATTTCAGTGGTTTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCC  
CCCGCCCCCAAAATTTTATCAAACCCCCCAACCCGGGGGGGGGGCCCGGCCCAATTCCCCAAAAGGGA  
GTCTAATAACCCCCCCCCCGGGCCGCTTTTTAAACTCCGGGAGGGGAAAAACCCTGGGTTTCCCCAATTTA  
ACCCCTTTCACAAAAATCCCCTTTTCCCCAGTGGGGAAA

>trans\_c\_4578 XM\_002872439|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytochrome C-2 (CYTC-2), mRNA

ATCCTTCTACAAACACTGTAAACCCTAGCCTTCAGATCCGATCGCCACCTCATTTGCCATGGCAAGCTTTGAC  
GAAGCACCTCCCGCAATTCCAAAACCTGGAGAGAAGATCTTCAAGACCAAATGCGCTCAGTGCCACACTGTTG  
ACAAAGGGGCTGGCCACAAGCAAGGTCCCAATTTGAATGGGTTATTTGGACGTCAATCTGGTACAACCTCTGG  
ATACTCTTACTCTGCTGCCAACAAGAATATGGCTGTGATATGGGAAGAAAAGACGTTGTATGATTACTTGCTTA  
ACCCCAAGAAGTATATCCCTGGAACGAAAATGGTTTTCCAGGGTTGAAGAAACCGCAGGAACGTGCCGACC  
TTATTGCTTATCTGAAGGAATCAACTGCTTAAATGAGATATATATGATGCGTTTACCCATCTAGAAATTTTTAG  
ACGTTCCCCCTCATTAATAAGAACATTGAGGAAAATTTAGATGAAACATACAGAGTAATCATCCTGTGGCAA  
AAAGAGTCGTCTTGTGAAAACCACAAGAGTTCCTTTTCTTTTCATTAATCTCTTATTTGAAGAGTTAATCCATT  
TGTAGCTTACATTATTGTTTGGTGTGATGAACACTGCTACAATTTTTTTTTTGGCCAAGCTGGTTATGGCAATTT  
ATTTTTATAATAAATATCACACTTGTTACAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
ACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4579 FJ222550|Gossypium arboreum Cu/Zn superoxide dismutase mRNA, complete cds

ATTTCTAGACTCTTCGTTCCCATTCATCTCACCTGCCTTCTCTTCTTCTGTCCAAGGGGTGTTCTGAGATCACA  
GGAAAGATGGTAAAGGCTGTAGCTGTTCTTGGAAGTAGTGAGGGTGTGAGTGGAACATATCTTTTTACCCAA  
GAAGGAGATGGTCCAACCACTGTTACGGGCAATGTTTCTGGTCTCAAGCCCGGGCCTCATGGATTCCATGTTT  
ACGCCTTAGGTGACACAACCAATGGCTGCATGTCGACTGGGCCACATTTCAACCTGCTGGAAAGCAACATGG  
TGCTCCCGAGGACGAGAACCGCCATGCCGGTGATTTAGGGAACATTATCGTTGGTGAAGATGGCACGGCTAA  
CTTACCATTACTGACAACCAGATTTCTCTCTGTGGAAAGGACTCCATTATCGGAAGGGCGGTTGTGGTTCATG  
GAGACCCTGATGATCTTGGCAAGGGTGGACATGAACTCAGCTTAAGTACAGGAAATGCTGGTGCTAGAGTAG  
CCTGTGGCATTATTGGTCTGCAAGGTTAAGATTTGTTGCCTTCGTTGCCGTTTCTATTGAAGCATTGAACCCAA  
ATGCTATCTAGTGCTTCCAAGAATATTCCTAAACTCGCGTGAATGAATAAAACGCAGCACTGTACTTTTTCTTT  
TTCTTTTACTTTTTTTGTGACGATTAGATCTTTTACTTATCCATACTGTCTGCTGTTTTATTATTATTTCTGGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4580 XM\_002885987|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AGGCTCCATTATTTTTGTTCAAGCATAAGGATGAAGGTTATGCTTTAGACTGGAGTCCACTTGTTCTGGAAGG  
CTTTTGTCTGGGGACTGTAAAAATTTTATTCATTTGTGGGAGCCTTCATCTGCCACTTCGTGGAATGTTGATACT  
GCTCCATTTGTTGGACATTCTGCAAGTGTCGAAGATCTGCAGTGGAGTCCTACAGAACCTCATGATTTTCCTC  
CTGTTCTGCGGATGGGAATATCGCAATATGGGATGTTCTGTTAGGGAAGTCTCCTGCAGCCTCTTTTAAGGCA  
CACAATGCTGATGTGAATGTTATTTTCATGGAACAGACTTGCAAGCTGTATGTTGGCATCTGGAAGTGATGATG  
GAACATTTTCTATTCACGATCTCCGATTACTCAAGGAAGGAGATTCTGTAGTAGCGCATTTTGAATACCACAAA  
CAACCCATCACGTCGATAGAGTGGAGTCCACATGAAGCCTCAACACTGGCAGTGTCATCAGCCGACAACCGT  
TGACAATATGGGACCTCTCTTTGGAAAAGGATGAAGAAGAAGAAGCAGAGTTCAAAGCCAAAACCAAGAAC  
AAGCAAATGCACCCGAAGATTTACCTCCCCAACTTCTATTTGTTTCATCAGGGGCAAAATGACTTGAAAGAATTA  
CACTGGCATGCTCAAAATCCCGGGATGATTGTTCTACTGCTGCTGATGGTTTTAACATTCTTATGCCCTTCAAC  
ATTCAAACCTACCTTCTTCTGATGCTGCTGC

>trans\_c\_4581 XM\_002302275|Populus trichocarpa histone H3 (HTR901), mRNA

ACTTCATTCGCTTTTGAAAGATTTCCCAATCTCTTCGTCGGCCAAAATTCTCTCTCGCTTCTCAACCCTTCTTCGG  
CTTTTTCATCCAGATGGCTCGTACGAAGCAAACCTGCTCGCAAATCTACAGGAGGGAAGGCTCCAGAAAAGCA  
GCTTGCTACTAAGGCTGCGCGTAAGTCGGCTCCCACTGGAGGCGTGAAGAAACCACACAGATACCGCCC  
AGGAACAGTCGCTCTTCGAGAAATCCGCAAGTACCAGAAGAGTACAGAGCTCCTAATCCGCAAACCTCCATTC  
CAGAGGCTTGTTCTGTAATTCACAGGATTTCAAAACAGATCTACGTTTCCAGAGCCACGCGGTTTTGGCAT  
TACAAGAAGCTGCTGAAGCTTATCTTGTTGGGTTGTTGGAAGATACCAATCTCTGCGCCATTCACGCCAAGCGT  
GTTACAATCATGCCAAAAGATATCCAACCTGCCAGAAGAATCCGTGGTGAAAGAGCTTAAATCCAACCTTCATC  
TAAGATTAGACTATGCGTCAAATATAATTTTTTTTTCTTCTTTTGTGGAATTGCAATCTATGTGTAAATTGTGTT  
TTGCTTCAATAAACACAATCTATACTTTTACTTCCATGAACATTATTATTGGTTTCAAACCTACAAAGTTTGTAT  
TATCTTTATGTGAAATTCAATTTGTCTTCACAAAAAAGGAAAATTTACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4582 FJ362592|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L35a (RPL35A) mRNA, complete cds

TCTAAATCATTTTCCCCATTATAAAAGCTTCCTCTTCTACTAGCGGCAACCTTCTTCTTTGAACAGCAGCTCCATC  
TTCCTCACTTCAACCTCCAAGTCTAAGTCGTTTTTCAAACCTAGACTGCGACAGCCATGGTGAAGGGAAGCC  
AGGGAGAAAGAATCAGACTCTACGTCAGAGGAACGGTCTTGGATACAAGAGGTCTGAAGTCTAATCAGTATC  
CAAGAACATCCCTGATTCAAATTGAAGGGGTGAACACCAGGGAAGAGGTCGCATGGTATGCTGGAAAGCGCT  
TGGCATATATTTACAAGGCCAAAGTGAAGCAAAATGGAACCTACTACCGATGCATTTGGGGCAAGGTTTCCAG  
GCCTCATGGTAACAGTGGCATTGTCCGAGCTAAGTTCAAGTCAAACCTTGCCCCAAAATCCATGGGTGACAAA  
ATTAGGGTGTTTATGTACCCAGCAATATATGAGTTCCTCTGATCAGCTAGCTAGAGGTCAGGTTTCATTTCTT  
TGTTGACTTGGGGTGGATCCATATTTTTGATTTACGACTTCCTATCGGACCCAATGTTTAGATGTTTTGTTTCA  
TGTAACAACTTCAGTAAGTTTGGAGTGTTCAATTATGGAATATTACTTTCAATTTTGACGAAGTTTCATTTTACATC  
AAGGCTTTACTGCAAAGACATGCTGAGCATCAATGGTGGTCACTTCACTTGCAATTATTATGAAGTGTTTATTTG  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4583 Novel Gene

TGACCCAAATTCCTCACTTAAACCCCTAGTTTCCGTCGATCTCACTAACACACCAGAATTCATCATCA  
TGGCATCATACGATTACGACGACTCACGGGCCAACTACGATGACCCCGCCACGCTCCGGTGTGCTCTCCGGC  
TGGCCAAGACATTGGCTACGACCCCAATTTGTTCCAGATTCCGTCGAGTCCTTTGTCGTTTCATCTATACCGCC  
ACATCCGTGAGAAGAATGTATATGAAACCATCAAATGTATGAAACGTCCTTCCAGTCCTTATCTGACCGCCTA  
TTCAAGGACACACCCTGGCCCTCAGTTGATGCTGTGGCTCACTTTGTGGATAATGACCATGTGTTCTGCCTGCT

TTACCGTGAGATGTGGTTTCGCCATCTCTATGCTAGGCTATCACCAACTTTGAAGCAGAGGATTGACTCTTGGG  
ATAACTATTGTAGCTTATTTTCAGGTGGTTTTGCACGGAGTCGTGAATATGCAATTGCCTAACCAGTGGTTATGG  
GATATGGTGGAATGAAGTTTGTTCATCAGTTCCAGAGTTTCTGCCAGTACCGGGCTAAGATGAAGAATAAGAC  
CGAGCAGGAAATTGCTCTTCTGAGGCAATTCGATCAGGCTTGGAACGTATATGGTGTCTCAACTACTTGCAA  
GCTTTCGTAGAGAAATCCTCAATCATTCATATTCTTGAGGAGGAGAAGGAAGGTCTGAACAATTTACAGCCA  
CTGATGGGTATGACTATAGTGGTGGAAAGTAGT

>trans\_c\_4584 AF532623|Glycine max RING-H2 finger protein mRNA, complete cds

TAAAAAAAAAAATTGGCTATAGATTCAAATGGTTATCAAATTGATCTCTAGTCAAGCTATTGATTTGATTATTG  
TTATTCTTCATTGATAATTCTGTTTTCCATTGCTGTGAAATAATTAGAACCAGAATAAATCAAATTGCAGAAATT  
GGTACTGATAGTGACAATGGATATAACTTTTCAAGTTTTATTAACCTCTAAATGCTACTTTGCTATTAAACCTTG  
ATTTAATTGGTATGTGTTTCATGGATACGTAATTTGGTTAATTAATAATGCTTTTCTTTATTATTGTTGATGTTTT  
TTTCTGGGTTGTCATCTCTGTCTGAATGTTATCTTCAATTATTTTGGAGGCATTAACACTATGTTTTCGTTATAAC  
TTTCATAGATCGATCGCTGCACAGTCTGACTCAGCTACGAGCGTTGGTTCTAGAAATAATATCAATGGAAAT  
ACTCAGAATAGCTTGAGGTCTGGGTAAAGTGAGGATTCCAGATTGCCACCATCTGTTTTACTTGCTAGAGAAA  
GGCTTCTCAAGAGATTGAGAGGTGCCTCTTCTCCAACGAGCAAGAACGCACTTGTCGAAGCATCAAATGGAA  
ATCCAGAAATCTCAACAAGTCGATCGCAGAGGATATCCCTCATCGATGCTGACAGGATGCGATTAGTAGCTGT  
ACCTAGCAAGAGGCCTCCTGGTCTTTCCCAGGATGCAATCGACCGCTTACAACTTGAGGTTTGTATCAATACAG  
ATCGTATCATCGATGACGATGTGATGA

>trans\_c\_4585 Novel Gene

AATCAAATCCTAAACTTTAGTTGCTTCACTTTATACGCGCGTTTACATAGAGTCGACGGAGAAAGATCGAGTC  
AGACCTAGAGGCATCGAGAAGCAGAGAGTCAAGGGAAGGACAACCGCTACCGGAGACTGTCGACGGCCGA  
GTTCAATCGATAAGCTCTAATAGAAGAGGGGGAGATCGCCGACGAGGGAAGAGTGCACAAGTCTCTGTGGC  
TGATTTGAATAATCTAGTGCCCTAAAATTTCTCGATTCTTTCCACCTGCCGATAATTCAGGCTCCGGCGAAA  
GAGGACGCCGATGGGCTTTATCAGAAGTAGCTTCTCCTTTATAGCGGGATCTGTGTTCCGGGATTTACGTGGCT  
CAAAATTACAACGTTCCCAATATCAGGAAGCTCGCAAATACTGGACTTGCGATGGCCAAGCACATTGAAGAGA  
ATTACAGGAAGCCAAAGAAGAGGGATGATGATGATTGATTGGATGATTACAATCCAGGTTCCCCCTTTTGAC  
ATACTATTGAAGTAGTGCTTGTACTTCTGGATCTGTAGGCATTGAATATACGTTGAAATTTCTGGTCTTATAT  
ACGGGAGACTGATTTTTTTTTCTTTAGAAATGTAACGAGTTTCGATCACATAATTGGAGTTTGAATTTCTTCTC  
ACATGAATGCATCATTTTTGGCTTTGGATGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4586 NM\_001057105|Oryza sativa Japonica Group Os03g0586600 (Os03g0586600)  
mRNA, complete cds

TCAAACCTATTCTCTCGAAAATATTTCTCAAGGGTTTTGAATCCAGTCGAGACCCAGGGTTTTCCACAGAC  
CAACAGTTTTTCTATCCATCATCAATGGCGGACGACGATTACAATGACCTTGACATGGGATACGAAGATGAGC  
CACCAGAACCTGAGATTGAGGAAGGTGCTGAAGAAGAATTGGATACTAACAATGATGATGTTCTGGTGAAC  
CCGTTGAAGCGGAGGAAAAGGAAGATGAAGAACCTGTTGAACGTGTGCGTAAAACCTCAAAATTTATGACTA  
AGTATGAACGTGCTAGAATTTGGGTACACGCGCCCTCCAAATCAGCATGAATGCTCCTGTGATGGTTGAATT  
GGAGGGTGAGACTGATCCACTTGAGATTGCAATGAAGGAACCTTCGTGAGCGGAAGATACCTTTCACCATCCG  
TCGTTACTTGCCAGATGGAAGTTATGAAGACTGGGGCGTTGATGAACGATTGTGGAAGACTCTTGGAAGAG  
GCAAGTTGGTGGTGTGATTTTGTGTTCTGTGAGATAATAGCTTCTGTTAATTGCATAGCCGATCTGTTT  
GCTCCTTTAATCAACTGTGAGTGTCTTGGTTGTTGCATAACTAATCTATAATATTGGAATGAAATCACTTTTGA

GAACCAAACATTTATTGTTAGTTCACGACTAAACATGCCATTAACACTTGAATAACCTCCATTAGCCAAAACTT  
TATGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4587 AY098975|Arabidopsis thaliana At1g77350/F2P24\_6 mRNA, complete cds

AAGGAGACCGGCTTCGAACCGTCGACTCGTCGTTAGAGAAGAAGAAACGAAAGCTGCTGCCGGAGGCCATG  
GCGGGGTCTGGGAGTTCCATGCTTTACTCATTCTTCTATTTCATTGTCATTCTTTCGCTTCAAGAGATGTATAGA  
GGAAAGTTGGCTTCATCGGAGTTGTTTACCATACTCGGAGGATTTGTCAGTTCTCTTCTGTTTCTGGTGCTTCTA  
ACATTTATAGGAACTTCCAGGAAACAAGTGGCGTGCGAACTGGATGGGGAGCTGTCATCGTAGCAGAAGCA  
GTTGCATTGATTGCTGCAAGCACTGTTTCATAGAGTTTGCATCACAACATGTTTCTTGTCTCCGCTGGACTGCT  
GTATGAGTTGAACAAGCTTTCGGGTGCGACACTTTCTAAATCTGAATCTAGAGTCAAAAGACACTGAGATGGA  
AACTTAGCTCGTCAGACCGAACTATGTCGTTTTTTGAGATTTTCTTTTACTCCTACCTCCTGCAGGATGACTG  
CACCTTATGGTGTGTTGATTAGTTGTGTTTTGTTTATGTTTTCGTTTTGTCTTGGAGAGGAGCGGCTGTGGGA  
ACAATTTTACATTCATAGCTATTATAACATTAACAGTGTTAGCTATTTCTGTCTGCTATTATTAATCTAGAAGT  
CTTTTCAAACGTAGCCTAAATTTGTCATCAATGAATATTTGTGAAATTATTATAAAAAACAAAAGAGAGTATT  
TTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4588 NM\_001070353|Oryza sativa Japonica Group Os09g0542000 (Os09g0542000)  
mRNA, partial cds

GCCACCCCTTTTCTTCTCCTTCTCCTTCTCTTCTATATATTCTTCCTTCTTCTCTTTACCCACCGGGGCCTTCGG  
AAAGGCGCTTCATTTTTTTAAAAAACCAACCAATACCAATCATCAACGCACACACACACACACACGCGC  
GGAGTGCTGTAGATTCTTCTACCTCTTCCAAGCTTCTCTTGACATTCTTCTTTCTTCTTCTTCTACTACTGAC  
CTCACCCACTCACGATGGATAGGTACCAGAGAGTGAGAAAGCCCAAGTCAGAGAATACTCCTATAAACGAGA  
ATGAGATTTCGATTACTACTCAAGGAAGGATGAGAACTACATTACTTATGCCACCACTATTCTTCAGGAGAA  
AGGGTCAAACGAGATTGTTGTCAAGGGAATGGGCAGAGCTATCAATAAGACTGTTATGATTGCTGAGCTAAT  
TAAGAGAAGGATTGTCGGTCTCCATCAGAACACAGCAATTGGATCCACTGATATAACTGACATGTGGGAGCC  
ACTTGAAGAAGGACTTCTCCTCTCGAGACTACAAGACATGTTTCAATGGTGTCAATTACCTTGTCCAAGAAG  
AGCTAGATACACCTTCTACAGGATACCAATCACCTCTTCCCGTTGACCAAGTGAAACCATGGAATGAATTTGAA  
GATGAAGGAGATGGATCACCTAGAATAAGAAGTAGGGGACGTGGTAGAGGAAGAGGCAGGGGTAGAGGG  
AACTACAACGGTCCATCTGAGTATCAGGGAGATG

>trans\_c\_4589 AB000130|Glycine max mRNA for SRC2, complete cds

CCGCCGTACGCATATCCAGCCTGTGGAGGCGGTGGATAACCGTACCCTTGAGGCGGAGGCGGATACGCGTAA  
GCAGTACCTGGCGCAGGCGGATAAGCACCTCCCGCCGGATATCCGGAACTAGATCCAGGATAACCTTGAGGA  
TAAGCAGTCACCGGCTCACCGGATTTATAGCGGGAGGCGGTGGCGGTGGTGCTTGAACCGTGATTTTTCCC  
CAAATTTATACGAAAATTCGACGTTACCTTTTTCTTCCGCTCATAGTCCTGACGCTGAAATTAACGGTTCTCT  
CAGATTTTCCCTCATCTCCTTTAGCGCTTTCATCCAGCAATCGCTTAATTGGAACAATAACCTTCCCGATCTTCT  
ATCGCCTAACTCCGATCGGAAACAAATTTGATCTTCAGATTGAGTCGATTGTTCTGTAAGGCAGCCTCATCGA  
TTGTGAACTTCATGAGATAGTTCCAGTGAGGATCGGAACCGCTCCTTAGCTACCGGAGTCTTCTGCTTCGAC  
TTCCCGCGAGGATCACCAGAGATGGAAACGAAGGCGTATACATCCATCTTTGAAAAGAGATTGACATTCTTGA  
GGCCGTTGGCTCTCTTGATATTGACATCCAAAGTTCTACACTCCATAGATGAAGAATCAGAAGAAATAGGAAG  
AAGAAATATTCAAGAAATGGATTGAAAGGAAAATCGAAAAGCAAATCTTAAGTATTGAGAGATTGAATTGAA  
TAGGAAACGAAATGGGGAATTGAAAGAAAAGTGT

>trans\_c\_4590 DQ787070|Glycine max bZIP transcription factor bZIP121 (bZIP121) mRNA,  
complete cds

GCCCTTCCCTTCGCTGAATGTTCTTCACCGATCTGGTCTTCATGTGTTATTCCTCCCTAGGGTTTCTCTTCTTA  
TACACCCCTTTTTCATCTCTTTTCCCAATTGGCTTTTCATTTCCATGTAATGCTGTTCTCCCTTTTGATTTCTGTG  
CCGATTGCATGCTTTCCTTTTCGCGTTTCAGTGATTTCCGTGGTGGGTCTTCTTATCTCTAACCATTGCCTTGTT  
TTTTGGTGCTTTTGATTAATGCTGCCGCCTCATTTTTAGTTGACTCAACCATTGTTCTTAATTGGTTGACGTTCTT  
ACTGAAATTCCTACGTGGGTTTACTGAGTTTTTCCATCGTTGTTGTTTATGCCGAACCCCCATTTCCCTAATTC  
AGTTCAGAAGCTTCGTTTTTTTAAACTCGGAATCTAGGAATTGGTGGCTGAGTTCAATATTTTCATCTGTGTTGG  
TCTCAAATTTTGAATTATTTCTTCCAGTTTGTATTGTTGATTCTGTATTAAGTTATGGACGACGGGGAGCTTGA  
TTTTCAAATCAGGATGTTTTTCCAGCCCTAATATCGAGATTCCAAGCAGTTGTTCAATGGATAGTTTCTTTGA  
TGAACTTCTCAAAGATACTCATACTTGTACTCATACATACTTGCAATCCACCAGGCCCTGACTACTCTCATAC  
CCACACATGTTTTTCATGTCCACACTAAAATTGTCCCTGCCCCATCTGAAGAAGAAAAGGTTGTTACTGATGATA  
CTGCTGAATCAACTG

>trans\_c\_4591 Novel Gene

TGCGACTATCTCCACTATAGAAAGAAAAAAGAGAAAATTCGCTAATAAATACTAAAAAATAGGCTTTCT  
ACATATGTATTGTCCAACTAACGATTTGTATCAGCTGTAGCAAAGAAAGAACTTCATAGAAGCAGAAATAT  
GAAGAAATAGGTATGCCTAGATACTTTATTCTATGGATAAAGGATCTAATTGATAGAAGAAGCACCGTAAAGA  
TCAATTAGTCAGGTTTTTGGCCGATACAATAAAACTGCTTACTTATATCATGATATAAGATCAAATGAAGGA  
ATCCACTTATGTAATAGGGTGGATCCCCTACAATATTGAGCAGCGGTGTAGCATCAGATCCCAAAGACAGTAA  
GTCTTTTCTTCTTATGAAGGAAAGTCTTTTTCAAGGATTCTATATAAATTTCTAGATGAAACCGAGATAGTTAT  
CTTTCAGAAAATTGCAACAATAGTGGGTGGAATGCCTATGCTTTATTCTTCTGAAGGTGGGAGAAAAGATAAA  
ACTTATTTAATTATTCAGCAAAATTGTAGTTTGAACTTATATAATTAACCGCTTTTGCTTAACTCGAGAAAAA  
AAATGGGCTAGATCTATGAAAAATTTCAATTCAATTAGATTAGATATGATAAATTTTTTAAATATGGGACAGCA  
AAAGAATTGACTGTTGAGCCGTATGAGGTAGGAACTCTCAAGTACGGTCTAAGGGAAGGAATTTACCTGC  
CTATTCCGACAAAAA

>trans\_c\_4592 Novel Gene

TCGCATCAGGAACCGTAAGTTCCCAAACCTAACCCCAAATTTCTTCTCATTCAATCTCTAACAAATTGTCGG  
AATTTTCAGGTTAAAAAGTTCTATCAATCACGGAAGAGTCATAGATCTCTAACTATCAATGTAATCGGCACCG  
AGTCCCCTGTACGGAAGTGGAGCAAGTCTGAGCAGTTCCACTGGAACCCCGAACTCCATTGCCGTTGAAA  
CTGAGTTTCGTGATCAGATCCAGAGCCTACGTGCTGGGCCAATTAGTGAAGCCAAAATTCTACAGACACATCG  
ATTGCCCCATAATTTTCGATTCCAAGAACTCAATGTCCCCATGTCGCTCAAGAATTGCACAGTCGGTTGAAA  
CGAAATCGAGAATCACTTCAACATTTATTAATCAGTACTTGTCTTTTGTCTTGAGGTGTCTAGGAGTGG  
CGGACTGCGACAACCTCGAACAGAAACGGGGGACGCCAGAACGGGAAGGGTAAAGAGGAATAAGCGACAG  
AAACGGGGTTTCGATTGGCTGCCCCTTGCCCGACTAGTGCAATACAGGTTGGTTTCCGGGCAGCGACATGTG  
AATGAATGTTGGCCTTTATTTTATTTTCGATTTTAATTCTCTCATTCTTTAATTACGATATGTTTGAGTGATG  
ATATGATCATAATATATATAAATCAAATTTTAATTACATGTTTTTGCTCCATCATTGTACTATTATTATTCTTA  
ATAAATGGTTTACTTATATACTTTTAGA

>trans\_c\_4593 XM\_002866732|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA binding protein, mRNA

TTGAATTTGGGCGTTGGAATCGGAAGCCAAAATCGAAGTTCAGAATCAATCCTTCGTAATCTTGGTTAGGGTC  
TTCCTTTCCCGCTTCTTCTCTTCTCTTTGAATCCACTTCCTTAATCCTTCGCAATCCATCCAATTTACTC

CTTTCCGTCGTTTATCAGAGTGTAGCTTTTGGAGATTCAACACAATCATGTACGGACCCAGAGGTTAGCAGCA  
GCACTGCTGGATTTCAACCTTACGGCTATGGGAGTTTTCCACCTACTCATGCCTCCCTGTGGTTCGCCTTAGA  
GGACTTCCCTTCAACTGCACTGACATAGATATTTTCAAGTTCTTTGCTGGACTGGACATTGTGGATGTGCTGCT  
TGACAACAAGAATGGACGGTTCATGGGAGAGGCCCTTTGTTGTCTTTGCTGGCTCTGTGCAGGTTGAGTTTGCA  
TTGCAACGTGATCGACAGAATATGGGACGTAGGTATGTAGAAGTCTTCAGGAGCAAAGGCAAGATTATTAC  
AACGCTATTGCTACAGAAGTAAATTACGAGGGCATTATGATAATGATTACCACGGAAGACCTCCTCCTCGAC  
AAAAGAGGTTCAAGTGACAAGGACCAGATGGAATACACCGAGATACTGAACTTCGTGGTCTACACTTCTCTGT  
GACAAAATCCAACATCATTGAATTTTCGGAGAGTTTGACCTTGCAGAAGATAGGATACATATTGCAAGTCGT  
CCAGATGGGAAGGCTACTGGGGAGGCTTACG

>trans\_c\_4594 U82976|Citrus sinensis pectinesterase mRNA, complete cds

CAAGACACTCTCTACGTCCATTCCAACCGTCAATTCTACATCAACTGTCTCGTCTCCGGCACCGTCGATTTTCATT  
TTCGGCAACGCCGCTGCCATTTTCCAAGACTGTGACATTCACGCTCGAAACCAAATTCCGGTCAGAAAAACAT  
GGTCACGGCTCAAGGTCGGTCCGACCCGAACCAAACACCGGTATCGTTATCCAAAATCACGAATCGGAGC  
AACGTCAGATCTCCGCCCCGTCCAGAAGAGTTTCCCGACTTTTCTAGGAAGGCCGTGGAAGGAATACTCTAGA  
ACCGTGATTATGCAGTGTTTCGATTAGCGACGTCATTGACCCGAAGGGATGGCATGAGTGAGCGGTAGTTTT  
GCGCTTAACACGTTGTTTTATGGTGAGTATCAAATACTGGACCGGGGGCTTCGACCGGAGGGAGGGTGACG  
TGGAAGGGGTTTAGGGTGATTAGGAGTGCCACGGAGGCGGAAGGTTTTACCGCGGGTAAATTTATTGGCGG  
TGGGAGTTGGTTGCGCTCTACGGGCTTTCCTTCTCTTAGGATTGTGAGGGTGGTAATTTATTTTGTATC  
GGCTATTCATTTGTGGTAATTTTTTTCTTTTAATCTTTTTTAGTTCTTATGTGTAATTTTCGAATTACACTTATTG  
GTGACAGTGTAAGTTTGGTAAAAAGTAATAAATGCCAATGAAGAGCCTGTGTTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4595 NM\_001067574|Oryza sativa Japonica Group Os08g0158900 (Os08g0158900)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTCCCCCGGGGAAAGGGGGGGGGTTGCCAAAGGGGTAAATGGGGAACCCCCGGGTTTTTC  
CCCCCGGGGGTTTAAAAAGGGGGCCGGGGGGGGGGGGGATTTAGCCCCCTTAGGGGGAATTGGGGGC  
CGGGCCCCCCCCCGGGGGGGGGGGGTTTGTTAAATTTTTGGGGGGGGGGGGGGGCCCTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTTTGGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTTTTTTTTTATCCAACCGATATCCGATATTGGTATCAACAGAATCAACGAGCTTATGTTCAATAATAA  
GAAATGATATTGACAACTCTAAAGGAAAATCCCTCCCGCAGCATATGGCGGGGTAAAAAGAAGAAATCGATA  
TTGCTATGACAACTATAAATTACGGGATTGCTGATCGTTTCATGTTAGTTCTTCGATAGAGAATACTACAAAGA  
AGCGGGTAATGGCCGTGTTTGGGATCTTCAAACATTCATTGAGTAACGTTGTTGTAGTAGTAAGTCCTAACC  
GATTTGCCATCAGAGTGACCTTTTCGAATGCTATGAGGTCAGAAAGTTTCATTGATGTCATGTTTCTTCGGT  
CGCCGTCTTTGTTCTTTGATTGAGTTCATCTGGGAAAACAACATTCATGTACTCGTTCTTTCAACTCGCTGAG  
TCCTATATCATCCTTAACCGATA

>trans\_c\_4596 EF688566|Gossypium hirsutum 3-ketoacyl-CoA synthase 6 mRNA, complete cds

AGATTCAATACCCACTTTTATAATTCCCTTAAATCCCCATTTTCTCTCCATATCTTCAAGAAGCATCTTCAAAAA  
ATAAAACCCCTTTTTTGATCTCTCTTTGTGTGTGTGTGTTATGGAGCTTCTCTGCTTCTTCTCTCTGCTCTGT  
TTTCTATTTTCTTTCACCATTTGGAAGTATTTGATGACAAACGAGATCAAGAATGTTACATATTGAATTATCA  
ATGTTACAAGCCGACCGACGACAGAAAATTAAGTACGGAGTTCTGCGGCGAAGTCATTAAGAGGACCAAAAA  
TCTGGGTCTCAATGAGTATAAATTCCTTCTTAAAGCTATTGTTAGCTCCGGTATCGGTGAAGAAACCTACGGTC  
CGAGGATTATGTTGCTGGCAGGGAAGATAGTCCGACGCTGGATGATGGAATCTCGGAGATGGATGAGTTTT



TTCATGACAGTATTGGGAAGATCTTTCAGAAATCGGGATTTTCTCCTTCGGATATCGATGTTTTGGTTGTTAAT  
GTCTCAATGTTAGCGACGATTCCGTCGTTATCTGCTCGAATTATTATAAACTCCGGTCTGATGTTAAGGTGTTT  
AATCTCACTGGAATGGGCTGCAGTGCGAGTTTGATTTCATAGACGTCGTTTCAGAGTATTCAAGTCGTATAA  
AAACATCAACGCTCTTGTTATAACGTCTGAATCGTTGAGTCCAAATTGGTATTCCGGTAACGACAGATCGATGA  
TTTTATCGAATTGTTGTTCCGATC

>trans\_c\_4597 XM\_002311042|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

TGTATGCGGGGGTTGCTTTTGTGGGATATTCAATGTTTGGAGAATCAACGATGTCACAGTTCACTCTCAACTG  
CCAACGAACTTGGTTGCATCAAAGATCGCCGTCTGGACTACGGTGGTTAACCATTACCAAGTATGCATTGA  
CATTGACCCCAATTGCACTGAGTCTAGAGGAGCTGATACCATCAAATCATCCTCAGTTTCTTATGCTCTCAATCC  
TTATAAGAACTGCTCTTGTCGTCTCTACCTGCTTGTTGGGCTTGGCATTCTTTCTTTGGTTTGATTTTGTGCT  
TTTCGGGTCACTTCTCACCATGTTTCATTAGTTTAATACTTCCTTGCTTGTTTCTGAGCATCCTCAAAGGGAA  
AGTAACACGTTTACAGGGAATAGTGTGTGTGATAATAATGGTAATAGGGCTGATAGCAGCAGCCTTGGAAAC  
TTATTCATCCGTATTAATAATCGTCCAGAATTTGAGTACCTAGCAATTTGGCAATTTAATCCACCAAATCCTGC  
TTTTGTTTCTATTTAATTGTTCTTCCCTTCCCTTCCCTTCCCACTTCTAATTTGACCTTTCATTTTTCTTACC  
CGTTTTTATAGTTTACTGCAACTTTAATATAGAGTTTGTGTGTTATTTTTTTTATTATTATTTTTAAGTTT  
TCAATTTATTATCTCTATAATAAAATTTTATTACCAATAAAATTTTGTTATGGTTTTCATTTCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4598 AY018267|Oryza sativa microsatellite MRG0592 containing (AT)X14, genomic  
sequence

GACATACCCATTACCCACCACGTTAAGCAATTGATCTGCTGTTATTGTTTTATCTTCTTCTCCAGATCTCCAAA  
TTTCTCCATTTCCATTTCTATTCCCAAAGAATTATGAGTTACTCTACGGCTACAACCATCCTCCGCCGGAAACCT  
ACCCGCCTCCCGGGTACCCTCCACCGCAGCCTGGATATCCCGGCCATCAGCCACCCCCACCGCCGCCGCATCA  
AGGCTATCAAGGCTATTTCTATGATGGGTATCAGCCATCGGCGCCCCCTCCTCCTCCTCCACCGCCTTATCA  
TCATCAGCACTATCACTACGATGATCGAAATGATTGTTCTCCTCCTTCATGGATGCTTAGCTACACTTTGTTG  
TTGTTGTATGTTGGAGGAGTGCTTGGCCTGCTTCCGATAGACGATTGCAAAATAGTGTCTCCTTCAGTCGGT  
TCAGTGGTGCTGTGTTTCATGTCTTCTATATGCTGTGTTTCATGTCTTCTATTGTGAACCGACTACTATTTTCACATC  
ACTTTGTTATATTTGTAGTTTCTGGTTTGTGTGATTGCAAATCTCTGTATTGTTGGTATCTAAATGTTCTTA  
TTTACTTTTATACATACCTAAACAAATAGTAGATAATACTATTAGACTTGGAATCCCTATTGTTGTCATCCAGAT  
CAAATTTTTAAAGATTTTGATGCATAGTTTCTGTGGAGCCCTGATACAGAAAGCAGAATATGCTATTCGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4599 AF166277|Nicotiana tabacum low molecular weight heat-shock protein (LHS-1)  
mRNA, complete cds

ATCATCCAGAAATCATCCAACAGATAATTCCCAATTCTATAAAACATTCTTTTCGATCAGATTTACTTCCAAC  
TTCTAATTCAACTACCATGGCTCTCATTCCAAGCATTTTCGGTGGTCGCCGAGCAACGTCTTCGACCCCTTCTC  
ATTGGACATTTGGGATCCCTTCGAAGGCTTCTCCTTTCAAACCTATTAGCCAACCTTCCCTCCTCTGCTCGCGA  
AACCTCTGCTTTCGCCAACACCCGCATCGACTGGAAGGAGACCCCAAGCCACATCTTCAAGGCTGATCTTC  
CCGGAATCAAGAAGGAAGAAGTGAAAGTAGAAGTGGAAGAAGGCAGAGTTTTGCAAATCAGTGGAGAGAG  
GAGCAAAGAGCAGGAGGAGAAGAATGACAAATGGCATAGAATTGAACGGAGCAGTGGGAAGTTCATGAGG  
AGATTTAGGCTGCCGAGAATGCTAAAGTTGAGGAGGTGAAAGCCAACATGGAGAATGGAGTTCTGACTGTG  
ACGGTGCTTAAATGGAAGAGAAGAAGCCTGAGATCAAGTCCATTGACATCGCTGGTTGAACCTTACAGTGT  
TCATCCTGAGTACTGAGTTCTGGGTTTTGTCTCTGCCTCTGTTTGTTAATACTATGGAAGAATGAGCTGTGT

TTATGTGTTTTGTGAATGTTTGTAACCTTTGTAAAAACGATAAGTGTTGGTTGTGTTAATGAGAATAAATATA  
ATCTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4600 NM\_124818|Arabidopsis thaliana THE1 (THESEUS1); kinase/ protein kinase (THE1)  
mRNA, complete cds

AGTCACTTGTATGGAACAGATCTACCACCTTTGTCATGGAAGCAACGACTTGATATTTGCATTGGTGCTCCAAG  
GGGGCTTCATTATCTTCACACTGGTGCAGCTCAAAGCATAATACACCGAGATGTTAAAACCACAAACATTCTCT  
TGGATGAGAATTCGTTGCCAAAGTTGCAGACTTTGGTCTCTCAAAAACCGGGCCATCTCTGGATCAGACTCAT  
GTAAGTACTGCTGTCAAGGGTAGTTTTGGTTACCTTGATCCTGAATACTTCAGGCGACAACAGCTCACTGAGA  
AGTCAGATGTATATTCATTTCGGAGTCGTGCTAATGGAAGTTCTCTGCACGAGGCCAGCACTAAACCCGGTTCT  
GCCCCGAGAACAAGTCAACATAGCTGAATGGGCAATGACCTGGCAGAAGAAGGGCATGCTAGATCATATTAT  
GGACCCAAATCTGGTCGGTAAAGTTAATCCAGCGTCGCTTAAGAAGTTTGGTGAAACAGCTGAGAAGTGTCT  
GGCTGAGTATGGGGTTGACAGGCCATCCATGGGAGACGTCCTGTGGAACCTGGAATATGCTCTTCAACTCGA  
GGAACTTCATCTGCTCTAATGGAACCTGAAGACAACAGCACAAATCACATCCCTACCATCCAACCTGACCCAC  
TTGAGCCATTTGATAATAGTGTAAGCATGATTGACGGAGGGAACCTCTGGCACCGACGATGATGCAGAAGATG  
CTGCAACAAGTGCAGTATTTTCACAGCTTGTAATC

>trans\_c\_4601 AF525761|Fagus sylvatica chloroplast OA region, partial sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTCTTTTATTTTTTAATGAACTCACTTCATTAAATAACTCTCTACACTACTAATAT  
TTATATCAACATAAGTTCTATTACAAGTCATATGGATACTATTATGAATCCATTCCCTGTTTTTGTAGTTTTTGT  
TTGTGATTTATTAGTTAATCCTTGAATTCGAAATAATACAGAAAGAAAATAACAAAGAATCCACTTTTTTTGT  
TACTGTGCAGTTGATTTACATACGGATCAAATTCGGACAAAGACAGTTTTTCTGGCTGTTCCGTATACGTCTG  
CTTTGGGTCAAATGAGCATTCTGAAGAAATTCAGTTAAGTTATTATACTATTACTATGGTCTATAAAAAAGAC  
TATTCTTTCATTTCACTTTTATCCCTCTTGCTACGAACAAAATTCATTCTGAACCTTCATTTTTCAAAAACTTCAAT  
TGGTACACGCAAGAAATAGGCCAATTCGGCAGCCTTTTGCTCAATTTCTCGTGGGGTCAGATTCTGATCGGTA  
CGCGTCAAGGGAATGGCCCCCTTAATTCGAATATTCCATATAAAGGACACGACGTGCATAAATACCCTCTTTAAC  
TTCTATTCTGATGGACTGAATGTCTTTCATAAGGAATCGTAGGAAGATTTCGACGATTTTTTCCAGGAAACCCCC  
AACGAAAAATAGACACTATTTCTTCTTTCTATCGAATCGATCATAACCGCTACCTACATTCCACAAAATTGTGC  
ACCACAAATAGGAGCT

>trans\_c\_4602 Novel Gene

GTTTTGGGGATCGGAAACTCATAAACCCCAACTCCTCAGTTTGCGATTTTCAGAGCTTTCCAACACAACCAAAAA  
TGGCGACCGAAGAAGAAAGCACTGTTAAGGAGCCTTTGGATCTCATAAGGTTGAGTCTTGACGAGCGTATTT  
ACGTCAAGCTTCGCTCTGACCGCGAACTCCGCGGCAAACTCCATGCTTATGATCAGCATCTTAATATGATTCTA  
GGTGATGTCAAGAAAGTGTTACTACAGTAGAAATCGATGATGAGACATATGAAGAAATTGTTCCGACATCC  
AGGCGAACGTTCCGTTTCTCTCGTTAGAGGAGATGGGGTCATATTGGTTTCACCTCCACTGAGGACTGTGT  
AACTAAGCCATCAGTCATTTGCGTGCATCTTTAAAGGGAACCTCTTATTTGCCTTCTCTACCAAACCTGACTGGA  
GTTGGAATACTATCAAGTACTCGACCCATTCATAGACTAGGCTTATCATTTACTTGTTATGCACATGTTCTATT  
ACATAAACTAGTTAGTTGTTTTGATATATTTGAGTGGTAACTATAGTTTTCTGACACTTCAATTGACTGCACAAG  
TTTAGGGCCTTTTCGATTTTGAATGTAAGGCCAAGTAAACAAAACCTTGTAATTGTGCATCTATAAGCTAAGCCTT  
GCTTGGTTTCTTATCCGTTTTGATTTGTCTTATTCTTATTGAAAAGCATGTTTTGTTGGATTCTTGCACTCATCC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4603 AL161515|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 27

GCCGCTCTCTCTCGGAACGCTCTCCGGTTCAGTATCGCACGACTTCCCTCTCCTCGGAACGCTCTCCGGTTC  
AGCTTCGCCGCTCTCTCTCGCAAGGATCCCACCAAACCGTGAGTTGCTTCTCCTCCCCCTTCCGTCCGTTTCGC  
ACTGCCTTCATTCTCCGTCTGGTTCAATTCGCAGAAGGCTCACCAAACACCAAAATCTTTAAATGGATCAAGA  
GGCTGCACGAACTGCTCGGGAATCACTAGACCTTGCAATTCATATGTCTAATGTACTTGATGCCGGGATCGATC  
GCCACACTCTCTCTGCTCTATTGCTCTCTGTGACATGGGTGTGAACCCTGAAGCTTTGGCTGCTGTTGTCAAG  
GAACTACGGCAGGAGCCACCCGCATCAGAGACCATCATATCGGCCAGTAACAAGTCATAAGTTCCCCAAGCA  
AAGAAACAACCTCTGTTCCCTCTGATGTAGGTTGAAATACAAATGTGTTATTTAACGATGTTGGATGGCATCTTGT  
GATAGATGGCTTGGTGTGTTAGAAATGTTCTAAGTACACAATCTTGATTTCATCCCTTCTCTATTTTAGCTGATTTT  
GTCGAAATAACAGAATTGGCACACATGTATTCTAATCAGATCTGTTGGAATGAGAGTGAGGGTTGATCATGTC  
GGTATGCTTTTCATTCATTTACGCATTGCAATTGTGCTTCAAGCGATGGTCCCAGTTACATAGCTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4604 AY196093|Brassica napus cytoplasmic ribosomal protein S14 mRNA, complete cds

CTCTTCCACCGGAGATTTATCACGTCGAGGGAGGTTGAAGGTTTCAGACAAAGTCTCGAAAACCTAATCTCCA  
CTTGATCTTCCAGTTTATTACTCGTCACCATGTCGAGAAGGAAGACTAGAGAGCCCAAGGAGGAACTGTCA  
CTCTTGGCCCTGCTGTTTCGTGAAGGAGAGCATGTCTTGGCGTTGCTCACATTTTGTCTCGTTTAAATGACACTT  
TTATTCATGTAACCTGATCTGTCTGGTCGGGAAACACTTGTCGCATCACTGGTGGTATGAAGGTGAAAGCTGA  
TAGGGATGAGTCGTCCCCTTATGCTGCCATGCTTGCTGCACAGGATGTTTCTCAAAGATGCAAGGAACTTGGT  
ATTACTGCTTTCATATAAAGCTCCGGGCTACCGGTGGAAACAAAACCAAACTCCTGGACCTGGTGTCTAAT  
CGGCTCTTAGGGCCCTTGCTCGTTCAGGCATGCGAATTGGCCGCATAGAGGATGTAACCTCAATCCCCACAGA  
CAGTACTCGTAGAAAGGGTGGCAGAAGAGGAAGAAGGTTGTAATTCCTAGGCTCCTTACAAATTGTCGATCT  
CTTACCATGGATGTGGTGGCAGTTGAATACCATAGTTTTAGAAAGAAAGGTTGCTCTTACTTATCTGCTAAATTG  
TGTGAACCTTAATGTTCTGGTAATTGCTTCTCTACCAACATTTTTTTTGCCATTTTGATTTCATGGAATACCTTCAA  
AGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4605 AF428438|Arabidopsis thaliana AT3g13120/MJG19\_6 mRNA, complete cds

GTCCTGTGCCATTACCTACAAAAAGCGCATTTATTGTGTTCTTAAATCCCTCATGTTTCATAAGGATGCAAGA  
TTCCATTTTGAATCAGAACCCACCAACGCCTCATTGATATTTGTACCCTACCGCCCAAACGATTGATTCTTTG  
ATGCAACTCGACCTTCCAGCTGGTGTGACGTGGAGGTCAAGCTATGAAGAGAACAGCTTCACCTAGGTAATG  
GGTTTCTGAGGATGTAACCTACTTAAATATATCAGAGCCTGAAATTGTGTAGACGGTAAGTGTGGAACAGGTCA  
TAGAAGCGATAACTGGTGCTTACAGTATGCTTCTCTTTGCTTGAATTTCTGTGCCAACTTGGAATGGGAGCAA  
TGGAATATAGGACTGTTAAATCACAATTTTCTTTTGTAGTTCTTTGCTGCTTGCAGTCTCTGTCAATCATT  
TGTATTAACCCTGTTTTGTATTTTTTTGGGTACTTAATGGAACAATGAAAATAGTTGAATTCATGCATCAACCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTA  
ACCAAAACCCCCAACCCCAAGGGGGCCCCCAACCCCAATCCCCCAAAAATAATCCAAATAACCCCCCCCCC  
TGCCCCCTTTTAACAACCCCGGGCCGGGA

>trans\_c\_4606 NM\_124880|Arabidopsis thaliana integral membrane family protein (AT5G54980)  
mRNA, complete cds

ATTTTCACACCTTCTTATTCATCTACATCCCCTTCTTCACCAAACCTCCATAAAAAATATTAGCTCCAAAAATGGCT  
GAAACCAACAATCCTTCTCTCTTCAAATTTCTTGATTTCTCTTAAAGATTATGCTCCGTTCCCTTTCAGCATCGCTG  
CTTTGTGGCTCACTGTACCAACCGACAAGACAATCCAGATTATGGCAACTTAGAGTTTCATAATCTCAGTGGT  
CTCAAGTACTTGGTTTGCATATCTGCCATCGCTGCCGTCTACGCTTTTCTTGCCGCCGCCGTGTCTTGCTTCCGG

TGGTTCATCGTTAGGGCTTGGGTATTCTTCGTTTCCGATCAGATTGTGGCTTATTTGATGGTTGCATCGGGGGC  
GGCGGTGGGGGAGATATTATACATAGCATACAACGGAGATAGAGAGGTTTCATGGAGTGAAGCTTGTAGTTC  
ATATGGCAAATTCTGTAACAACATGAAAATGGCTCTCATTTTTCAAGCTTTGGGATTTGGTTGTTTCTTCTCTT  
GGCTATCATCTCTGCTTTTAGAGCTTTTAGTGTCTTCCCCCTCCCCTAATCTCTTCCCACTAAACCCAACTCCAT  
ATTAACTATTTGTAATAATATTGGTATAATTGTCTTGAGGTTTTATTCATTGTGAATTTCTATCGTATCACAAA  
TTCTTAATTCTAAATACAAAATGTTTATTCTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4607 NM\_001069800|Oryza sativa Japonica Group Os09g0437500 (Os09g0437500)  
mRNA, complete cds

AAGACTTTTTCTTTTTCCCTTCTTCCATTCAATTATAAACCCAAACGCCTTCCCCTCTTCTTCCAAATCTGGCAC  
ACAGTGGGACAATAAATAATCATCATTAAATTAATCAACAAAAAGAAAAATATGAGTTTCTCCAAAAAT  
TATGGGACGAAACCCTCGCCGGTCCAGCGCCGGATTCCGGACTCAGTCGGCTGCGTAAGTATAACTCCTTCTC  
CGCTCCAGATCTCCCCGATGTTATCCAACGACGTCTATCGAATAACAATAGTAATAATAATATTCCACCGA  
CAATCCAAATCCCTAGCCCTACGCTTTCCAGAGTCCCACCTCTTCCCTGAATCGCCGATGCCCGCACCATCTA  
CGCCGAGGACTCCCCCTCCACTCCGCCGGAGACGCCGCGATCAGGAGAGGATCATGTGAAGAGACTTGGGA  
GAAGAAGATCGGTGGATTATCCTGGACGCCGTCTCTGGAGGGACCTGAACAACTAGTCCTTCTGTTTATGA  
TTGGATCGTAATAACTGCGTTGGATCGTTGAGGAACAAAAGAAGAGGAGAAATGAAGAAAGTTGTAAATTTG  
AGGAGGGTGAAAAAGTAATTAACATCTCTTTTCTCTCAGTACTACTAACTCGTATGTTAGATATTAAAGGG  
AAAAGGAATTTGGAGGATGTAGACAACATATATATATATATATGTAGAGAGTATAATAATTAGTATATAAG  
AGGAGGATGGAGGATGGAGGATGGAGGAC

>trans\_c\_4608 Novel Gene

GAACCTCTCTTTTACAATGGGGGCTTACAAGTATGTGTCGGAGCTATGGAGGAAAAAGCAGTCCGATGTGAT  
GAGGTTTCTACAGAGGGTGAGATGCTGGGAATATCGCCAACACCCTTCAATTGTCCGCGTCAATCATCCCCT  
CGCCCTGATAAAGCTCGGCGTCTTGGTTACAAGCCAAGCAGGGTTATGTGGTTTATAGGGTACGTGTGAGA  
CGTGGTGGTAGGAAGAGGCCAGTTCCCAAGGGTATTGTGTATGGAAAACCAACGAACCAGGGTGTTACCCAA  
TTGAAGTTCCAGCGCAGCAAGCGGTCAGTTGCTGAAGAACGAGCAGGGCGAAAGTTGGGTGGTTTGAGGGT  
TCTCAACTCGTACTGGATCAACGAGGATTCTACTTACAAATACTATGAGGTGATTTTGGTTGATGTTGCCATA  
ATGCCATTGCAATGACCCGAGAATCAAGTGGATCTGCAATCCCGTCCACAAGCACAGGGAGCTCAGAGGAC  
TTACATCCGCAGGCAAGAAGTACAGGGGTCTTCGTGGAAAAGGACACTTGCAACCACAAGGCCAGGCCTTCTC  
GCAGAGCAACCTGGAAGAGGAACAATACTCTATCTCTCCGTCGTTATCGTTGATTTTGGTATCGTTTTGCTCTG  
TTTTGTTATTTTATTACGAGCATCCTGTTTGGGAATGTTGTGGCTGAAAGTTACTTCGATCTGGAAATTTTG  
AACTATATAATTTGTGTTGAGACTTGTGAGGATCAGAAA

>trans\_c\_4609 NM\_001069137|Oryza sativa Japonica Group Os09g0123300 (Os09g0123300)  
mRNA, complete cds

ATGGCCGTTGGGATAATTCATTCTCTGGTATAAGAGCTAAAGTATCAAGGAACTGTAAAAGAGCGGAGGA  
ACACATTAATCTTAAAGATGGACAATATCTTCTCAGAGAGCAAAAGAAGATCCGAAATCTTTTGCAACACCCA  
GAAACATTGGAATTGCAGTAACTGGAACCTTCATTTTATGTTGTGGTGTCTCTGTCCTGTTTCTATCGAAAG  
AGGAGACGTTCTGTTCAAAACTTACAGAAGAACAACAATCAGTGCATTTAGCCTCCACCATTGAAGCAATGA  
ACTCTGCTCATGAGAAAATTCTAGCCAGTCCACTTCGGGTACCACCTAGTCCTCGATATTCTCCATCTCCAAAAC  
TTAAACGGCTTGGATCTGTTTCACTTAACATGAGCCAAGTAGTTAGGGCAACTCAGGAGTTCTCACCAGCTCTC  
CGCATAGGCGAAGGAGGTTTTGGAAGTGTCTACAAAGCAAACTAGAAGATGGGCAGATAGTTGCCATAAAA

CGTGCAAAAAAGGAACAATTTGAGAATTCAAGAACTGACTTTGGCAGTGAAGTAGAATTACTGTCCAAAATTG  
ATCATCGGAGTTTGGTTAAACTGCTAGGTTACGTTGATCATGGAAATGAGCGCATCATCATTACGGAATATGT  
GGGAAACGGAACCTTAGAGAACATTTGGATGGTGTGCATGGGAAAGTATTGGATTTAATCAGAGACTTTG  
AATTGCAATTGATATTGCTCATGGACTAACTTAT

>trans\_c\_4610 NM\_001056502|Oryza sativa Japonica Group Os03g0322500 (Os03g0322500)  
mRNA, complete cds

AAGATATAAACTCAGGACTCGACTCTCAGTTCTGAGCTCTCACATTTCCCACTCTCTTCAATTTCCATGGCAT  
CTTCCGAGCAGGAAGCGGCTCTTGACGCCGTTCCCTCCGATTCTCCCACCATATTTGACAAAATCATTAACAAG  
GAAATTCCATCTACGGTGGTTTTTGAGGATGACAAGGTCCTTGCTTTAGGGACATAGCACCCCAAGCTCCTAC  
ACATATTCTAATCATTCCAAAAGTTAAGGATGGATTATCTGGATTATCTAAGGCTGAGGAGAGGCACACGGAG  
ATTCTTGGCCACCTTCTTTACACTGCCAAGCTCATTGCCAAACAAGAAGGACTGGACGATGGCTTTAGGGTCGT  
AATTAACGACGACCAAGTGGATGTCAATCGGTTTATCATCTTCATGTTACCTTTTGGGGGACGACAAATG  
AATTGGCCCCCAGGTTAAGATAGAGACTTTTATTAACGTTGAAATATAGAGCTAATAAACCTATATTATCATT  
ACCTATTCAAGAACTTTGTGGACTACTGCACGTGCCTTGTTGGTGTCTAAGATCCTATTGAATATGGTTAATTGA  
TGTAAGTTTGATGACTATTGTTTTGTTTTCTGAATGTCTAATTGAAAATGGATGGCTATCTTTCCTCAGAAAG  
GGAAATGTATGTATGTGGGTTTATATCAGAACGATGTTGAGTTAAAAGGAAAGAAAAGAAAGATTGGGCCTC  
ATTTTGGCATCAAGAAAGTGTGGAAC

>trans\_c\_4611 AY429440|Gossypium barbadense fiber protein Fb19 mRNA, partial cds

AAAATTTGTCCATCTCTGACGCAGACCCAAAATTCTTGAAGCTTTCCTTTCAATGGCGACAGGAGAAAAGCAA  
GTTATGGTTGTCGGAATTGACGACAGTGCGCACAGCCTCTACGCTCTCGAGTGGACGTTAGACCATCTCCTCG  
TTCCAATCTCTCCGTTAACTCCCCATTCAAGCTCATCGTTGTTACGCCAAACCTTCCGCTTCTCCGCCATCA  
GTCTCGCCGGACCTGGAGCCGCTGAGGTTTTGCCCTATGTGGATTCCGATTGAAGAAGATTGCTGCGCGAGT  
TATCGAAAAAGCGAAGGAGATTTGCCTCGCTAGATCGGTGCATGATGTTGTGTTGGAGGTGATAGAAGGAGA  
TGCCAGGAACGTACTTTGTGAGGCCGTAGAAAAGCACACGCTTCTGTGCTGGTTGTTGGGAGCCATGGCTAT  
GGAGCTATAAAGAGGGCTGTTTTAGGGAGTGTTAGTGATTATTGTGCTCATCATGCTCACTGCACCGTGATGA  
TTGTAAAGAAGCCCAAACCAAGCACTAGATCTCATTTGTATTTTGGTCCTTTTGTGAGAGTGATAACTAAAG  
GGATCCCAAATGATATAGTAATTTGGAGAATCTACAGATTTGTATAATCATCAAATAAAATTAACAGTGA  
AGGGGTGTTGTATTTGATACGAATTGTGAATCCAAAGCTCTGTAATAATAAGCTTCCTTTATTTGTGTA  
AAAAA

>trans\_c\_4612 AF261940|Spinacia oleracea Alvaro ribosomal protein 5 precursor (Psrp-5) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AGAGATAGTGAGGGGCTCCAGTTCACGCCATGGCTTCGTTTCTCCTCTGCTCCAATCCCCTCTCCACCTCTTTC  
CATTTTTCTACGTTGCACCATGTTTTCCACCCACTTCTGCCATCCCTAGCTCTATGTTGCTCATGAAGCCTATTG  
GGTTTCAGCCAAAAACCTTAATGGAGTCCGGCTACGGAACCACCCTTTGTTGAAAATACAGCATCGTTAGTT  
GTCAAAGCTGCATCTGAGACTGATGCTACGGGAGAAATTGATAGTAGTGAAGTTCAGCCGCTGCAGAAGCT  
AAAAAGGAGGATGTTCCAGTTGATAAACTTCCATTAGAATCAAAGTTACAAGAGAGGCTGGAACAGAAGGCA  
AGAATGAAGTTAGCAAAAAAGATTAGGCTACGGAGGAAGCGGCTGGTTCAGAAACGCCATTTGAGGAAGAA  
GGGACGATGGCCTCCATCAAAGATGAAGAAGTTGAAGAATGTTTGATAATCCTTTTAGCTCCTTGAATTCAATT  
CTTGAGATCGAGAGATGCCATTTCTGCTCATCGCTTCCAATTTACTGTCTTATTTCTTTATGCTTTCAAGGAAA  
TGTATTTGCTTCTTAATATACCTGAAAGGATCCAGTGAGTAATGAAATGTGCAAATTGTTCTTAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4613 XM\_002312768|Populus trichocarpa cholesterol transport protein, mRNA

GCAGTATCTTGATATATGGAATACAGCTTTGATGAACATCGCCATAGCGCTTGGTGCCATATTTATTGTCTCTC  
TGGTCATCACCTCTAGTTTGTGGTGTTTCGGAATGATTATACTTGTGTTTGGCTATGATTGTTATTGATCTCTTGG  
GAGTAATGGCAATTCTGAAAATTCACTAAATGCAGTCTCTGTTGTTAACATATTGATGTCGATAGGAATTGCT  
GTTGAGTTTTGCGTCCATTTAGTTCATGCATTTTCAGTTAGCTGTGGCGACAGAAATCAGCGAGCACAGGAGG  
CTTTGAGTACAATCGGAGCCTCTGTATTCACTGGGATCACTCTCACAAGCTGGTTGGAGTGGTCGTTCTTTGC  
TTCGCCAAATCAGAGATATTTGTGGTTTATTACTTCAAATGTACCTTGCTTGGTCATCATCGGTTTCCTCCAT  
GGCCTCGTGTTTCTACCTGTAATTTTGAAGTATGATTGGACCACCATCAAGATATTTGATTAAAGATGATGCTCC  
TGTGGAAACTGAGCTTCTTGTTCATAAGGCATATGATGAAATATGAAGTATGTCGGTCCCTCTCTTGGAC  
AACCTTTTACACTTTATTTAGACGCACATAAGCACAGTTAGGTATATCATCTCTAATTTTTCTAATGAAATTCAG  
AAGTTGGTCTTTCAACATAGCTGAAGTTGCCAGATGCACAGGAGAATGTATATGTTTACCTACAGAATTAATAT  
ATGTGTTTCACACTTCTTACAAG

>trans\_c\_4614 XM\_002882884|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyltransferase family 14  
protein, mRNA

AAGGGTCTTGGTCCGAATTTGAACAGCTTGGGGTTGTTATTTGGTGCCTTGATCTTATCAAAATATTGGGAAAT  
CGCCAAGACCCTGCCGGCTAGAAATGGTTAATAGAACTGGAGTTGAAATCAACCCATGATAAGATCTTGTGA  
TGGGGTCTTGAACCTGGAGAGGAAATGGCTGTTTCCTTGTGATAAGCTCTCTCATATGCATATTCCTTCTC  
GTCACCTTCTTCAACATGGGTCTCGTCTCTTCACTTTACACAATCAACTCGCTTTTTGCAATCTTTCCCGTCTGAA  
TGACTATGGACAACACAAGTGCTGTTTTGCTGAATCGAAGATTGCACAACCTTCATCTCTGCGGGACCAACA  
ATCCCTCGCTTTGCTTATTTGATTTCTGGGTGCAAAGGTGATTTGAAAAGCTATGGAGAATCCTTAAAGCGTT  
GTATCACCTTTGAATCATTACGTTGTCCACTTGACCTCGAGTCAACAGCAGAGGAGCGATTGGAATTGGCTT  
CGCGAGTGGGAAACGAGTCACTTTTTGCCGAAGTTAAGAATGTTTTCATGATCAGCAAGGCCAATATGGTTAC  
CTACAGGGGACCTACCATGGATGCTAATACTCTTCATGCCTGTGCCATTCTTCTTAAGAGGAGTAAGGAATGG  
GATTGGTTTATCAACCTCAGTGCTTCTGATTATCCTCTTGTGACTCAAGATGATCTTCTTTTACGTTCAAAATT  
TAGATCGAAACCTCAATTTTATTG

>trans\_c\_4615 XM\_002872755|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AGGTGGATGGATTATCCACCCCATGCAAAAATTTGATGCATCCACGTGATCGATCCGTTGCTACGTACAAGG  
GTCATTCAGTCTGCCAACACTTATTCTTTGTTATTTCTCCCCGGAATATAGCACCGGTCAGAAGTACATCTACA  
CTGGGTCTCACAATTCTTGTGTTTATATCTATGATATGTTGACTGGAGTTCTAGTTGCAACACTCAAGCATCATA  
AATCACCTGTAAGAGACTGTAGCTGGCACCTCAATATCCAATGCTTGTAAGCTCTTCATGGGATGGGGATGT  
AGTCAAATGGGAATTTCCAGGCAGCGGTGAAGCACCAACTCTCCAACAAGAAGAGGGTCCGCAGACGACA  
TTTCTATTGAAGACTGCTATAGAAAATTGTAAGCCAAGCTCTTTCCTGTCCTTTATAGCTTGGCAAAATAGTCTT  
GCAATGGGATGCATGCATCCTATCTTACTGTCAAAAATAAGATGCAATTAGTATTTAGTATGCTTTTTAATCTCT  
CGCGGATGCAATATTTTGTCTTCTACTTGAAACGAATCTTTGATATCATGGTTCTGTCTGGAATCTATGTGA  
AAAAATGATATATATAGTGTATAATAATGTTCAACAAAATGATGATATATATAGTGTATAATAATGTTCAACA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4616 AY367058|Pisum sativum cultivar Alaska SAT5 mRNA, complete cds

TTCTCTCTTTCTTCCTTAATTCATCATCATGGCCAACGGCGACAACCTTGAGGAATCCAGCCCTCTTCTTGGCA  
AGGTCGTTGAAAATGCGGATGAGAAGGATACCCTTCGTAGCTCCACCGCAGCCACCCCGATTGCTCCCTCC  
TCCCCCTCCTTTTCGTAAAGATATGGAGGAGGAGAATCGCGATGGTGGCTCTGATTATGGCTGGACTGCTGAT  
GGGTGCCGTTTCATGGCAGTGTGGTCGGGGAGCCAGTCGGTCGTGCCCAATGGGAACTGATCTCTGCGCT  
GTGCGGTGTCGCCACGATGAATTTGACGTAGCGATCTTGAAGTTTGTCTTCTTGGAAAGTGTGGCTCCTTGCAT  
TCTGTATGGAACAAATGCAGAGAGACTTGGGTCTTCTACTCCTGGGACTTTTGCAAACCATTCATGTCATATT  
CTGGTCTTTACTTAATTGGAACCTCTTTCTTTGGTTGGAAGTGTCTGGCTCCATGGTTTACATATCCTACTCGTA  
CAGCTATTCGTGAATGTTCAATTTGGAGGGTAACTGCGAGGCACCTCATAGGTCATGTGGCTGTTGCGGACT  
CTGTGTTGAAGATGAAGTTCAACGTGAGCACTGTGAATCTGTTTGTGACTTTGCAACTCATATCTTCTGTCACA  
CGTGTGCACTTTGCCAGGAAGGTCGTGAACCTTCGTGAGGATGCCTCACCCAGGCTTCAATGCTCGTCCTGT  
TTTAGTCATGATCCACCTGGAGAACAGT

>trans\_c\_4617 Novel Gene

TTTTTCTTCACCTTCTATTGTCTTCGTCTCAAAGTCCCAATCGTTGACGTTTCTGGTTTCTCCATGATCAGAATG  
CTCTGGCGGTTGGAACCTCAACTTTCCCCACTCAATTGTGCAGCAAATGATCAGAATGTATGATTTTGACAGA  
AATGGAACATGAGCTTCGAAGAGTTCGTAGCTCTCAACAAGTTCCTCCTTAAGCTTCAGCAAGCCTTCTCTGA  
CTTGAAAGAGGTCGTGGTTATCTAGTCCAGATGATGTATATGAGGCTTTGGTTAAAATTGGCTTCACGCTG  
GACTCTCCAGCTTTTTATACTGTCTGCGAGAGCTTTGATCAAAAAGAAAAATGGGAGATTCGGCTAGACGACT  
TCATATCTCTGTATATTTGTTCAATCAGCTGGGAATTTGTTTAATTCCTTTGATACAGCAAAACAAGGCAAGG  
GGAATCTAGATCTCAACCAATTTGTCTATTGCACTGCTAATTGCAGAATATGAAAGTGAAAAATATTTGACGAA  
GAGGGGAGCATACCGTAATACTAGAATGGTGGTTCCATTTTCATACCGTAATGCTAATTGCAGAATATGTGC  
AACTTTGGATCTAGAATGTGGTATTTCAACTGTGAACCTATTTTTTCAGTAGCATATGTATCGTGTGTTGTTATC  
TGTTGGTTTTGATCATTGTCTTTGACGCTGGAAAAAGCTCATGTGATTAGAGTACCATTAATTCATTTCTATACC  
TCTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4618 NM\_125960|Arabidopsis thaliana peptidase M3 family protein / thimet  
oligopeptidase family protein (AT5G65620) mRNA, complete cds

GGAATCTCAAATAAAAGAGGCTCTTCTTCGGGGTGTTACTCTTGAAGGTGATAAAAGGGATAATTTCAACAAA  
ATTGAGCAGGAGCTGGAAAGGTTATCTCATAAATTTGATGAAAATGTTTTGGACGCAACAAAGAAGTTTGAG  
AAGTTGATTGTTGATAAACACGAAGTTGATGGACTGCCTTCTACTGCTTTGGGAATGGCAGCTCAAACAGCAG  
TTTCCAAGGGTCACGAAAATGCTACTGCAGAAAATGGTCCATGGATAATTACTTTGGATGCTCCGTGTCATCTT  
TCTGTCATGCAACATGCTAAAAATCGATCCTTGCGGGAGGAAATTTACTATGCTTATATAACTCGAGCCTCTAG  
TGGAGAAATGGACAATACGTCCATAATTGACCAAAATTTGAAGCTTAGGCAGGAAAAGGCTAAGATTCTTAAT  
TTTAATAACTATGCCGAGGTTAGCATGGAGACCAAAATGGCTACTGTCGAGAAAGCAGAAGAGCTTCTCGAA  
AAGCTTCGTAGTGCTTCCTGGAATGCTGCAGTTCAAGATGTGGAAGATCTTCAGGATTTTGCCAAAAGACAAG  
GTGCGCCGGAAGCTAATGATTTGAACCATTGGGACATCAGCTTTTGGAGTGAGAGGCTTCGGGAGTCGAAGT  
TTGATATCAATGAGGAAGAACTACGACCATTTTTTTCCTTGCCAAGGGTTATGGATGGCCTTTTCAGTCTTGCA  
AAGACGCTTTTTGATATTGATATTCAACCAGCTG

>trans\_c\_4619 NM\_101055|Arabidopsis thaliana ATGLX1 (GLYOXALASE I HOMOLOG);  
lactoylglutathione lyase/ metal ion binding (ATGLX1) mRNA, complete cds

CAGTACCGAGGGCAACCTGAGCATATGCATTTCCCTTGGTATACTCTGTACACCATAATTATAAGTCAACTCT  
AGCACTGTTGTCTCTAGTTTCATCTGCATATCCCATCATGGCTAGGGTATACTTGAATTCTGGCCTATCAACCTC  
TTTAATAGCCTCATTCCCAAGGCCTTCTCATAAACTTGATAGAGCGTTCTAGATCACCAACACGAAGCATTAC

TTGACAGAGTGGCTCAGGAGTAGGACCCCTCTGGATGAGTTCAAAAATATAACCATCAGGATCCTTTGCAAAG  
GCAATAACAGAGGATCCTCCCTTGACAGGGCCAGGTTCCCTGGTAATGATCCCACCCTTGGCTCGTATATCTTC  
TACAAGTTTATATACATCTTGAGTTGCAATAGCAAAATGGCCAAAGCCAGTCCCGATATCATAAGAACTAACTC  
CATAATTGTACGTCAACTCCACCACAAAATTAGAATCTTCTGGGCCAAATCCAAGGAAAAGCATTAGAATATTTT  
TCTTCTGGCACATCCCTCTTCCTTAATAATTTTCATCCCAAAACATTTCAGTATAGAACTTGATGGTACGGTCAAGG  
TCACCAACACGGTACACAACATGAAGAAACCGACGCTTGTCTTTCTTAGGCCAGTCCAACAACTCGGCATTTCG  
GAGCAAGAGATGCAGCAGCCTCAGCCATAGCAACTGAACTCGACTAGAGTCTTAGTGTGCGCGCGCCTCTA  
GAATGTTACAGGGGAGAGAAAAGTGCC

>trans\_c\_4620 NM\_001185818|Oryza sativa Japonica Group Os01g0954400 (Os01g0954400)  
mRNA, partial cds

AAGATCGTAAAGACAAACCCTCGTGTACTCGCTATGTCTTCTCCGGAATCTCTTCCCAAAGCTCCCAATTGAC  
AGATGCGGTTCAAGGACTAGTTCTTAGCGATCAGAGCGATAAAGATCGGAGGGTTATGACAACCTTCTCCGG  
AATCTCTATCCAGAGCGCTGAAATTTTCAGATGCCGTTCAAGAACAAGTAACTTGCCACCAGTTGGAAATGGGA  
AAGAAAGTAGAGATTCAAGGAACGGGGCATGGTAGTCACGATGGGGCTTGTGCAATTTGCTTGAATAAGATA  
GCACTTCAAGAACTGCTTTATGCAACTTGCATCCTTCGGTGGGCCTCATACACTCAAAGCCGACTTGTCCAC  
AATGTAAACATCTATTTGAGTTCCTGATCGTTCATCGTTCTCTTGATGGGAGCATCCACGACTACATGTTTGAG  
GAGAGTGTATGCCTGCTTCTGAGAGCTTCGTGGTATAAACCTCTAATCTTTGAAGAACGGGAGGAAACGTATG  
ATGATCCTGAGGACGACCAATACTATCATGATGATGATGAAGAGTTAGAGGATGCTTACCTGGGTGAATCACC  
ATCTCTCCGCATCGGGAATCGAAGGTGGGGATACAATGGTTACGTGAGGGCAGGTAGACAGGAAGCCCCGAC  
CAGTTCTTAGGCAGGAGTTTACTGGAGGACCAAGTTCATCGAGGGATCCCGTAACAAACAGGCCTCCAAAGA  
CAAAACAGGTGACGTGCTAAAAGGGCCTTGAAACG

>trans\_c\_4621 Novel Gene

CAATTTTCCGGATCAGAACGCTCGAGTTCATATTCAACAACAGGTCCAAGAATCAGGATATGTGTTAACTCTC  
AGTACGATCAGCATCAACACCAGCAACTTCAGCAACAGCAACCACAGCAACAACCACAGCAACACCCACCTCA  
ACCACGGCAATTCATACATGCTGGCGCACATTACATCCACCAGCACCCATCTGGTGCAGCTCAAATTCCTGCAT  
TTTTCCCTGTATATTCTCCTCAGCACCATCATCATCCCCATCAAATTGAACAGCAGTATCCAGTCTACTACCTGCC  
TGCTAGACAGGGCCAAGCTTATGGCAATTTGCCAGTACAGCAATCTACCATCAGCGAGTCTGCCACTGCTATT  
CCTCCTGGCCGGCCTCAAACCCCTCCCAACCCAACCTTTGGTTACAACCTGCAGCTTATAACCACATGAGGAATCC  
CCCTATTGCAAAAACCTGAAATGGCTGCTAATGCATTCAAACAGACAACCTACAACCTCCTCAGTCGTTGGTTCAGG  
TTCCCAAACTCAGCATCAGCAGCAATACGTTGGCTACAACCAGGGTTATTCTCATATTCAGCATCCATCCCAA  
TCAGTTCCACCTACATCCGCTACTGCAAATTATGCCTACGAATTTTCGGATCCTGCTCATTCTCAGATATACTAT  
ACTCAGCCTCTTCCACCTTCTCAGTACCAAGCCATGCCAGCAGCTGCTGTAATGCTGCCTGAAAATTCTGCTCA  
GCTTCCCACTGACAATATCAAGC

>trans\_c\_4622 XM\_002868773|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata seven in absentia family protein,  
mRNA

AGTCGTCGAGAATACGTGGCGGTCTTACGCATACACAATCTTCGTCTTCTCGCGAGCGAAGGGGAATCGACA  
TGGCGAAGTTTTCGGTTGATGGAGAAGAGGATGCCGGCGATGGACCCAGTAGCCCCAGGGGGAAGAGGAA  
GAGATCCTCTTTTGAATCAACGCCACTGATGATTTTCCCCGCCGTAGCGAACAGCGGGAACAAGGAGAAGA  
ACAGGGTTTCAATTCCGACAAGGAAGAAAGTGAGAATGATGAAGATCAGAGCAAGCGTCACCGAAATGATG  
AAATAGAGGAACATCTTCGAGAAGACGGTGGTAAGAGAGCACTTTGGTCGGGTAAGTCGTGTACTAAAAATG  
CGAAGCCAAATGGTTCCGTTTCGATGTTCTTGATTGACCCAGAAGTGTTGGATTGCTCTATTTGCTGCGAACCT



TTGAGCATCCCCATCTTCCAGGTCTCTTCTTTCAACGTCTTCATACATGTTCTCTTTGCAATTAGTTGTAATTTT  
GTAGTTGATCGTGGTCTGATTCCTAATTGGGTGTTTAGTTCATTGGTCCTCTAGTGTATTGGGCTTACTTCAATT  
GAGACTTTAAGATGAAATGGAAGCCATAAATTTGTAATGTAAAAAAGAAAGAAATCTTGGGTGATAGTGCTT  
TGTGTGTAATTCGGAAGCTGGGATTAGAAGAAACATTGAAATTCTTAATAACCTTCCATCAAATTGAGGCGA  
TAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4623 NM\_124280|Arabidopsis thaliana OVA2 (ovule abortion 2); ATP binding / aminoacyl-  
tRNA ligase/ catalytic/ isoleucine-tRNA ligase/ nucleotide binding (OVA2) mRNA, complete cds

GGATCCACAAGTTTTACTAGGAGAAGTTGTCAGACAGTTCTAGCAGCGCATGTCATTTCCATAGCAAGAATAA  
TCGCTCCAATATTGCCTCATTTGGCTGAGGATGTGTGGCAGAATCTTCCCTTCCAACACACAAACGATGATGGT  
TCTGTTGCCAAATTTGTCTTTGAATCAAGGTGGCCTAGCTTAAACAAGACTAGGCTTTTCTTCCCAAAGAGGA  
AATTGATTTCTGGGCAAAATATTCTTGAGCTAAGAACCGAGGTGAATAAAGTCCTGGAGGCTGCTCGAACCGG  
AAAGTTGATTGGTTCAAGCTTAGAGGCTAAAGTCCATCTGCATACCCAGATGGTCTGTCTTCTAAGTTGTGTG  
AAATGTGTGAATCTAACCATGATGCAGACACTTTGCAAAGAATATTATTACATCTCAGGTTGAGGTTTCATCAG  
TCCGTAGAGAATGAGCATATAGAGAACGTACCATACTGGAGAGTGCCTCATTGGTGGCAGCAAAGTCTGG  
ATTGGTGTGTCTCGTGCTGAAGGTTCAAAGTGTGAAAGATGTTGGAACTTTTCGATACGAGTAGGGTCTTTCC  
CAGAACATCCAACCTCTCTGCAAGCGCTGTTTCAATGTCGTTGCTGGCCACCCAGAACCAGCCATGGCAGCAGT  
CAGCTGAGACTCTTGATGACGGATATTGATTTTTTGAATATAGTGCCATTCTTTTACCCGGTATTGCCCCTCA  
TTGCTAAAGATGAGAAGTTTGAGTGGTGG

>trans\_c\_4624 DQ887086|Arachis hypogaea ubiquitin-conjugating enzyme mRNA, complete cds

ACTCTCTTATTCTTATTATTATTTTTTTTTGGGTTTCCTCTTCCGCAATCGAGGAGCTCGAAGAGGCTCGCCGAA  
TCCAAGGATTTTTACAATCTCCCATGGCTGGTCTCCAGCTAGGCTTCCCCTTCCGAAACAACCTAAAGATCTCT  
GGAAAAATCCCGGTGAAGGATTCCTCCGCGGTCCAATGGAAGAAAGCAATATATTTGAATGGAGCGGTACCA  
ATATTGGACCTCCCGATACCTTTATGAAGGGGGGTTCTTTAATGGGAATATGAGTTTTCCATCAAATTATCCA  
AATAGTCCTCCTTCCGTGAAGTTTACTTCTGAGATTTGGCATCCTAATGTTTATCCTGATGGGCGTGTGTTGATT  
TCAATCCTTCATCTCCTGGTGATGATCCCAATGGCTATGAGCTTGCTAGTGAGCGTTGGACTCCTGTTTCATAC  
GGTTGAAAGCATAGTTTTGAGTATTATATCGATGCTATCAAGCCCAAATGACGAATCACCTGCAAATGTTGAA  
GCTGCTAAGGAATGGCGGGACAGGAGAGAAGATTTCAAGAAAAAGGTAAGTCGCTGCGTGAGGAAGTCACA  
GGAAATGTTATAAGGAAAGTGACGCAGGCAAGTGCAGCTTTTGGTTGTCTTCTTCTGCTTTTGTGGCAGT  
GGGTGTTTAACTTTATCTTTGCTAAAGGGGACTTCACCTGTTCACTTTGGTGGTACCAGTGGGGGTCTTGCT  
TGTAGAACGTCAATGGAGCTATCACC

>trans\_c\_4625 XM\_002318671|Populus trichocarpa 4-coumarate-coa ligase (Ptr4CL9|ACLL19),  
mRNA

CCGTCAAATTCGAAACCTGNCCTCAAATCTCAAATCTTTAACCTCCCTATGCAATGGCCATGTCGCGTTTATCCT  
CGCACCCACTTCTCTCAAATCCCTGTGTTGATTTGCTCTGTTATCTCTCGGCGTCGTTCTCTCTCCGGCTAAT  
CCAACCAGTTCGGTTTCAGAAATTTCTCATCAGATTCAACTCAGTAAACCGGTCATTGCCTTCGCTACATCCTCA  
ACCGCTCCAAGCTCCCTACGCTTCGATTCCGGCACCGTTATCATCGATTGCCTCATTTCCTCTCTATGTTGACC  
GAAACCAACGGATCCGATGGTCTCACCGACATCAAAATCGATCAATCCGACTCGGCGGCGATTCTTTACTCAT  
CAGGTACTACAGGACGAGTGAAAGGCGTGCTACTGAGTCATCGGAACCTTATCGCGGTGAACTCAGGGCCAA  
CTGCTTTTCAATCGGAGATCCACGAAGGAGAAATGAAACCGCATCCAGTTGCTCTGTGTTTGTGCTTTATTT  
CATGTTTTCGGATTCGTAATGTTGGTTCGAGCGATTTCACGGGGAGAAACGTTGGTTTTAATGGAGAGATTTCG  
AATTCGAAGGGATGCTAAGAGCAGTAGAGAAGTTCAGGGTTATCTACATTCCAGTTTCGCCGCCGCTGGTGGT

GGCGATGGCGAAATCAGATCTGGTGGCGAAATATGATCTGAGTTCTCTCAAATTTGGGATGCGGCGGCGC  
TCCGCTTGGGAAAGAAGTGATCGAT

>trans\_c\_4626 Novel Gene

GAAAGCACAACACTACTTCAAAAGCTTTTTACAAGCAAATAGGGAGAGCAAAAGAAAAAAAAGGAAGAATTG  
TAGGGATAAAAATGTGAGAAAAAGCAAAACCTACCACCCAAGAGCAAGGCTATCAAGAGAACAGTTGCTTC  
TGATCTTCAGAAACCATGACAGCGACAAGGACGGCCGTCTGAGCACCACCGAGCTCACTGAAGCCTTCCGATA  
TATCGGCGCCTTTCTCCCGCCCTACCGAGCTCGCCACGCTCTTTTCATGCCGACTCCGACAGAGATGGATTCA  
TCAGCGAGAAGGATTTCAATTACTTGTTAATTATGCTGAGCAACGCCAATATACCGTCATTTGATTTTCTTTTA  
CCTTTTCTTTTCTTTTGGGTTTCCTTTCCATTTACGATATAAGGTTTAATGATCTCAGTCTATAATCTTGTGG  
GACGTACCCGTAAGATCAAAGATGAAAAATCATGTGTGATCAAGATTATATATGATTTTTCATATTTTACTATA  
CGATCAACAAATTATACTCGAGATCGAGAACTATTACTAATAACTGCTTGTGAGTGTTAGGGTCAAGTTCAA  
ATTACCTTCATTTCCATTTGTTCTAATCAAAAACCTGCTTATAGTTACTGTTCTTTCTTTCTTTTAAATAAA  
GGATACTTTCTTGTTGTAACCTGCTTATATAAGAAATGTCTTTGAATAAAGAGATACTTTCTTACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4627 NM\_128967|Arabidopsis thaliana nucleic acid binding (AT2G34160) mRNA,  
complete cds

GCCTTTTCTTCATTTGCACTCCTCATTTCCAAAGTCGCACTTACAGAGAGTGAGTTTTAGGGTTAGGGTTTTAG  
GTTTCACTAAAAGCTCAATGGAAGAGATAACCGAGGGTGTCAACTCTATCACATTAACAGCTGATTCCAGAA  
GAAGAATCGAATTCAAGTCTCCAACACCAAGAAACCTTATTCTTCTATGTTAATCTCGCCAAGAGGTATATGC  
AGCAGTACAATGAGGTTGAGCTTTCTGCCCTTGAATGGCCATTGCAACTGTTGTTACGGTTGCGGAAATTCT  
GAAAAACAATGGACTGGCTTTAGAAAAGAAGATTATGACTTCTACTGTTGATATCAAGGATGATTCTCGGGGG  
AGACCAGTTCAAAAGGCTAAGATTGAGATTGTGCTGGGAAAAACCGAAAACCTTTGATGAACTGATGGCTGCT  
GCTGCAGAGGAAAGGGAAAACGAAGATGGTGAAGAGCAGAGTTGAAAAGCCTTTTTTTTTTCTTTTCTTTTC  
TGTTCTTATCCTCCTCGTGGATGAGGCTAGTTGTTTCTTTATATCATATCTGGTCTCTCTGTTCTTAATTACTAA  
ACAAGTGTTTCATTTAGTGATGTAGGCTTTTTAGTTGTGGGAACAGCCTTTTTAGTTACCATGGGACATCTTTA  
TTTAAGAGAATGGAAACATAATCTGAATTACCCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACATGCTACAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4628 AC183493|Brassica oleracea Contig B, complete sequence

TAGTTTCCAGAGGAAGAGTCAATAAAGAAACGGAAATTGAGCTCTTCAAAGGAAGCACAAACCAATGACTC  
TGGTGCTTCAGCAACACATCACAAGTCGTCATCATCAATGGATACTACGACGACTACAAGCCAAAGGCAGCC  
ACCACAATGGTGACGAGCAGTCGTGGAAGGAGTAGTGCCACTAGCGCCACCTCACTTGATTGTGAATCGAGT  
GACGACGATAGACATTTCAAGAGAAAGCCATCTAGGTACGAGCCATCACACCTCCGCCATCAGACTGGGATC  
AGGAGGAATCAAGACATCCAGAGGCTCAACAAGAGATCGAGAACGGGAGCGAGAGCGAGAACGTAGTAG  
CTACAGCAAGCATAGATAGTAGTTTCGAGGGGATCGCTTCCAATCAAGGCACCCAAAGAATGCAGAGACCTCT  
GCCAATGTGGGGTAGTCCCATGGAGATGTGCCTTGCCGCTTGGGTTCAAAGAGCCATGCTCCGCTCAGCTCTC  
CTCAGTACGAGGTGAAGAAATGCTGTCCAAAGCTCCAAATTGATTTGTGTATTGGGTTAAGTGAAAACACAA  
GCATATATGTGTTTGAATGAGATTGCCGCTGTCTTGCGGATAAATTCTGTAATAGATAGAGGCTGTACTGTTT  
CAGCTGCTTCTGTATTTGCTTGTCATAAATTAATAATATACGGATGAAAATCATCATTCTCTATTTCTTTTAAT  
AATACATCTTTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4629 BT024525|Arabidopsis thaliana At2g34585 mRNA, complete cds

TTTGTTGTTTACTCACGAAGAGATTAGAGAGTTTGAGTAGAAGGGGAGAATCGGAATCGGAATCGGAATGGG  
GGCAATAACGACGGCCGTGATAGCAATCGGAGCGGTGGTTGCAGGATGGATCACCATCGAAATAGCTTGCAA  
ACCTTGCTGGAGAAAAGGTCGGGAAGCCATTGATCGTTCTCTCAATCCTGATTACGATCCTGACGATGAAGTC  
TCCGACATTCTGCTCCTCTAAATCCCAACCACAATTTACGCCAGATCTTGACGATACAAACCCTAGTCATCCA  
TCTTCCACCATTCCGAGGTTATCAAGGCCGTTTGATTCTACTACCTTCTTTCCTCGTATTTAACGGGTAATCGC  
ATTTTGTTGTTCTCGTGAATCGTATTCCGGATTTTAGAATCTTCGGTTCGGGTTGAGGAATTCTCTTTGAATTG  
GTCTACCGATTATATTGCTGCTTCAAGGGACGGTCAACGGATTGCAATGTAAAAATCTCTGTTTTGTGTTTTG  
CTTGTTGGATCTCTAATCTTTTAATATAGGGATGATAGAACTGTTTTCTTAGTAGAATAAATGGAATGTATA  
AATGTTTCTATATTATGTTGTAATTTAAGGGGTTTGTGTTTGTGATCGAGTGTTAAGCTTCAACTTACTTGCTC  
GGTCAACTGAAGAAGCTGACTATAATTGGAATTCAAAATCTTAATATGAGTATCTTTGAATGGTTTTCCGAAN  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4630 XM\_002884141|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

TTCAACAAAACTTCCCATCGACGACGGCTTAAGAGAAAAACAGAGAGCGAGAGGGGTTTAAACAAACGCTTTA  
GGGCTTTGGCGGAGGAAAACCTCACCAATCTGCCATTCTCACAGCTTCTCTCTCTCCGTAAAATGATCACCGGC  
GGGAAGAGCTACGTTTCAGCACCTCCAGCTTTCTCCAATGACGCCAAGCGGCTTCTGTCTGCACCGGCTACTC  
TGTCTCCATTTTCAGTACCTCCACTGGCTTGCGAGATTACTTCTTGAGGGTCACAAGGCCTCTGTGACATCGG  
TCACCGTGGTGCCGGCCTCTAGTGCGGCAAGTAAGATCTTGTGCTTCTGTTGGACTACTTCACTCGATGGAAT  
ATTCGATATTGGGATTTCTCGATTCCGGAGCTCATGAAGACCGTAGATATTCGGCTACCGGTTTACTCCATGGT  
TAGCTAGTTATCTATTTGATAAGTATCGGTATTGTGTTAGAAAAAGGTTAAGAAAGCCCTCATATCTAGGTTAT  
GAAATTATTTACTACCTTTTCAACTGTTTGTGGGGAGTGAATATTTCAACTTGTCTTCTCATTATGCAACGGT  
GGTACCAGTAGTTATCTTTAGACTTCAGACTTTAGACTTCGTGAAAGTAGAAGGCACTGAAACTTGTTTTAAG  
ACTCGATTTTTTCCCCCTAATATCTTTAAGGGAAGTGATGATATTCGCTTTCATGTTGCTTATGAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4631 Novel Gene

TGCTTCTATTCTTGCCTTCGTTTTTCTCCCACTATTTTTCTTGGCAGATGGTAAAGGAATGGCTTGGAC  
GTTGACTCGACGAACGATCTGATTGTGATCCACGACCACGAACACGAGCAACTTCATTCTTACGTGATCCCAT  
CTTCTATGCAATCTTCTCTATCTTTCTTATTTTCCCGCAACATCTTAGAACGAAAGGTGAAGGGAGTCAGACA  
GAGGCTGTATAATATGGCGAGAGAGTTCAACAACGTGGCAAGGCGACTTTCGTTTGGTTACTAACTTCTTA  
GTAGGTGATAAATTTTAGTTGGTGTGAAAATATTGTTTATTGATTTTTGCTCCATTGTTGTCTAGATCTAGATT  
TTGTGTGAAAATTTGTGAGAAATCTATTTCCCATTTGATCATTCTGTTGTTGTCTATATCTAGATTTGTTTTGA  
AAAAAGTTCTTTAAGAGATAGATTGTCTCATTTAGATTTTTTTGTCAATTGCTGAATGGCAAATTATGCACTTA  
GCATAAAATAAATATTGGTTGCTTACACAGTAACTACAATTTAATGGTGGATTTCAATTTGATTGCAAAATTT  
GCTTCCATTTGAAACCTTAATTCTTGTGTTAATCAATTAGGGTTGATATCTTTGAGAATTTCTTGTGATGACTT  
GCTTGATGATTTTTTTTTTGCCTCTAATTACTGGTTGATTTGGGTGTTATTGTTTGTGCTTTTTTACTGCTTTGT  
GGCTAACTTGA

>trans\_c\_4632 AY136461|Arabidopsis thaliana expressed protein (At3g57785) mRNA, complete cds

CTCTCTCGCTGGATCGCCCGCACAGTCGCTGAAATCGAAGGATCAACCCGAAACGCCCTCGCCGACGCCGACA  
AGTGTCTGAAATATGCTCCGACACCGCTTCTCTTCACTCCGACCCGTGGTGGAGCCGCCGCCGGACGGA  
GCCGGTGGACCAGTCCCGGTCACGAGGAACACCCCAAGGGCTATCTTTCAATCGGACACCGCCTCCACCAGG  
TCAGTCCCGTAAATGGGAGGATTGGGAGCTTCTTGTATGTTACTAGTTTTCTTACTATTGTAATCTTGCGCT  
TGGCCTCAACGCCAAGCCTGATCTCACAATTGAGACTTGGGCTCACCAGAAAGCCCTTGAGCGCCTTGAGATG

GAGAAGCTGGGTATATCTGGCTCTGGATCATCTGAATCTGATTGAATTCGTGATCCTTATGCACTTTTGGGAA  
CTGGGTTGTCTTATTTTGATTCTCCGTTGAAAAGGGGTTTCGGATATATGGTGGGTTTCATGAGATGGTGTCTG  
ATATCCTGTAGTTCAATAAGTTTTCTACATGTTTTCTGGCTCCTGTGGAGCTTCAATAACTGGTTATTTTTA  
ATCATTAACTTCGGACATATTTGACGTAAATGTCAAGTATTTAAGAATTTAACTTTCTGCTATGTTTCAATTCA  
GCTTCCAATGTGAATTATATATACGGATTCTCTAGTAATTTAGTTCTGCTGGAAGTCTTATGACGAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4633 NM\_102345|Arabidopsis thaliana OVA9 (ovule abortion 9); glutamine-tRNA ligase  
(OVA9) mRNA, complete cds

GAATCCAACCAACCGGAATCTTCCACTCCACAGCTCACAGATTCCTTTGATTCCTTTCACTTTCATTAGGGTTTTTC  
TCCATTTCTCCCCTTCTTCTTCTCCCGGCTCCCTTCCAATTCATCCACCTCCATTAAACGCTCTCAAATGACGG  
TGAATAATGATAATGTCGACAAGGACAAGTTGCTGGAAGTGTCTTGAGAATCGGCTTGGATGAACGCACTGC  
ACGCAACACCGTCGCCAACAATAAGGTCACTGCCAATCTCAGTGCTGTTATTCATGAGGCTGGCGTGCTTGAT  
GGATGTCACAGGGCTGTTGGAAATCTTGTATAGTGTTGCAACAAAGTATCCAGCAAATGCACTTATTCATC  
GACCAATATTGCTGGATTATATTACCTCGAATAAGGTAAAGACGCCGGCGCAATTGGAAGCGGCATTTTCATT  
TTTTCTGCTGCAGGCTCAGAAATTAATTGAATGAATTTGAAAGTGCATGTGGTGTGGTGGTGGTGAAGGTTT  
CAGTTGAAGAAATTGAGAAAATGTGAATGAGTTTTTGAAGAACGTAAAAATGAAATTCTGGAGCAGCGTT  
ATCGAACAAACGTGGGTGACTTGTTGGCCATGTACGGAAGAAGCATCCATGGGCTGATCCAAAGATTGTAA  
AGCAATTTATTGATTCAAATTATTTGAATTACTTGGTGAAAGGACAGTAGCAGATAACGAAAAGATAGCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4634 Novel Gene

GCATAGGAGTTGGTGAGAGAAGAATTATATATATATATATCAATATATCATCAAATTAGCTTATAATTTGAA  
GATGACTCTTGGAATCAATATTTCTGGTGGCCTTCAAATTGTGAATCCATTGGACAGTTTGCTTCTTGAGGTAT  
GTGTTCCACTTGTGCTTAATCATTGTCGTGCTATACTTGAATTGACGCCAGTTTGAAGGTATTATAGATGGT  
CACTATGAGGTTGGGCCAAATGGCAAAACATATACCTTAAGTTGAAACTAAAGGTCAGGATTGGTGATGCTT  
ATGTTATTAAGATCGTTGTGGTTAAATTCCTTTGGCCATTCAATGGCATTCCAACAAACCTTTTGTCTTCGAGT  
ATGTTGAAGAAATCAACATCTAAAAGCCATGAAATCATGCTATGTATAATGAAAATGTTGCTTTCATATGCATC  
ATTTTCATCTCTTATATATGTATCAATAAATATGTAAAATGGCTTTCTCCTTAAGAATGCAATAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAACCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTTAAAACCCCCACC  
CCCGGGGGGGGGCCCCGGCCCCAATCCCCCTATAGGGGGCGTAATAACCCCCCCCCCTGGGGCCCCCTTTTAA  
AACCGCCGGGAGGGGAAAAACCTGGG

>trans\_c\_4635 BT029312|Arabidopsis thaliana At1g52565 mRNA, complete cds

GCCAACTAAATAAAAACTTCCCTTTCCCAAATCTCACTTCAAATCCAAGAAAAAAGAAAAGCTTCCTTTC  
AATCCCGCCATGTCTTCCATTCTGAGTTCTCAAGGTCTCGTCATTGCAACAGCCATGGTCGTCTCTCCACAGCT  
CTCTTCTCGCCTTCTCAACCAACCATCAAGATGATCAGTCCAATAATCCACCTCCACATCCCTTCTCCTT  
CTTGCTTTTCATCTGATGAAAAGAAGAAACAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGGTGAGATTT  
GCTGAGGATGTGAAAGAACCAAAAGGGAATGGAGAAGAGTATAGAAGAGAACATGATGAGAAAATAGGTTT  
AATGGAGGAAACGAGAAGAGGAAGGAGAATAAGTTGTAGAAACGATATTCCTGCTAATCGAATTGCTTTGTA  
TAATGGAATTCTTAAAGATCGATCGAAAGGATTCAATGTTGTTTTGATCTTCACTCCACTTTGTTTTCTTCTTC  
TTGTTTCTGTGTAAGAAAAATCCAGCTTTTCTGTGGCTGTCAATGGATGGTGGAAATTTCTTTCATCCAATTT  
CTCTTCTTTCTTTTTTCTTCTTTCCTTTGAAAAAAGAAAGGAGATTATGAATTATGTATAGGAAGTTCTCG

ATTTTAGAATTTGAATTTTCATGTTTTCATATTTGTGTTTAGGTAACACTTGTTAAGTTTGATAGGTAACAATATG  
ATTGTTCTTTTTTCCAAAAAA

>trans\_c\_4636 AB294400|Cyclamen persicum CpPCy1-12 gene for glucosyltransferase, complete  
cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCATGAAAAAGCAGACTCAAAACATAGATATCAGATCAGAATCAGAT  
AATAAGGTATAAGATACTAAACAGAACTAGCCAACATATCATCAATCAAATTTCCCAAATGAAGTGTAAGAGGA  
ACCACCGGGAACAAGAGCTTCTCTACTTTTCTTACTAATTTCTTCCATTCTCTCCTCACCTCCCCTGCTTCATCG  
CCGTCCATCAAACGATGAACGGCTCTCTCAATCTGATCTGCAGTCACCAGGGATTACGTTCCCTGTGGTAATC  
CATCGTCAACTCCACTGCTATTCTAATTCTCTAACCAGCTTGAAAGCGTTTAACTGTTGCTCAGCATACTGCGG  
CCAAGTCACGAGCGGCACCGCATGCCAAATGCTTTCCAAAACAGAGTTCCATCCGCAGTGTGAAACGAAGCCT  
CCAATGGCTTTGTGGGCTAAAACATCTACTTGCCGAACCCACCCACAGACCTTTCCTTCCCTTTAACCTCTCC  
TGGAATCCCTTCGGCAAGACATCGTCAGGATCGGCATAACCCGATGGTGATTCAAATTTCTGTGCGGCGGGCG  
GTGAATCGAGGGTCGCGGTTAAGGAATTGAGTGATGAATTTGATGGTGGAGACGAGGTGGCCCACTCCCGA  
GGTGGGGACGAAAACAGTTCCGCCGTCGGCATGTTGGGAGGATGGAGTGAATCAGTGGTGTTCTTCCTTC  
TTCTACTTCTCTCAATGGATGTT

>trans\_c\_4637 AY058080|Arabidopsis thaliana AT5g39570/MIJ24\_40 mRNA, complete cds

ACATCCCAAAAAAAGAACCACGAGATTTACGATGCCGTACTACACCAGAGATGATGAAGCCGTCGACGACTT  
CGACGAGTACGATCCGACGCTTACGGCGGCGGCTTCGACCTCTTCTGACGTATGGCCGTCCACTTTCACCTT  
CCGAAGAAACCTGCTACCCTCACTCCGCCGGCAACGACGATAACATCGATTACGAACGTCCCCAGTTTGAATC  
CTACGCCGAGCCCTCCGCTTACGGCGACGACGCCCTCCAGGCTGAGTACAGCAGCTACTCCCGTCCAAAGCCC  
CATTCTATGGAGCTCCCTCTGGGGAACAAGGATATGGATCTGGCGGCTATGAATCTTCAGGCCACAGCCGG  
CCTATGGCTTCCAGCCTAGTGGATCGGAGTATGGATCTGAAGGATATCGCCGTAAACCGGAGTCTGGGGAAC  
AGGAGTACGGATCTGGTGGGTATGGGAGGAAACAGGAAACGGAGTCTTACGGATCTGGAGAGTATGGATCT  
GGTGGGTATAGGAGGAAACAGGAGTCGGAGTCTTACGGATCGGAAGAGTATGTATCTGGTGGATATGGGGG  
GGAGACAGGAATCGGATTCTTACGGATCTGGTGGATATGGACGGAGACAGGAATCAGACTCTTATGGATCTG  
GTGGGTATGGGGAGGAGGGCAAGAAGAGGGCGAATCGGAGGGATACCGACGGCAATCGGAATCTGAAGA  
GTATGGATCGGGGAGGAAACAGAGGTATGGAGAAGAAGGGT

>trans\_c\_4638 Novel Gene

GGCATTACCTAATAGAGAGAAGATAGCTATTCTATTACAACAATGGAAAGAAGAGGGATAAGATTGATTTTC  
TTACTGTTTTGTTCTACCTTGGCCATTTTCATCTGCGGCTCTCCAACAGCAAATCTTCCAACAGCAACAGAGTCT  
AATTACCAACAGAAAACCTTACACAAGAAAACAGGGCAAATATGGGGTTACTAACCAGATTAGCAGAAGATAC  
AGTGCAAGTGCAATCACCGTTTCTAATGTGATTCTGTCGTCAAATGGAGGTGCAGCCGCTGCCGGCGGTGGA  
GAAAATGGTGGTGGCAGTAGACCTCATACAGGAGGAGGTACAGCCGTGATCCCTGTTTATGCAGCTGGTTCA  
GCACAAGCACGTCACCGCCAAGGTGACCCACATAATGCAGGAAATGGCTATGAGAACAATACAGGGCTTCTG  
GTAGCTGCAGTTTTGGCCGCCATTGCTCATCTCTGTAGAGTTTACTGATATCAAGGCTGTCTCCATTGGGACAC  
AATAACATTGTTACATTGTTGAGCTTTCGTTTCTGTCAAGGTCAAGAAAAAAGCAAAATATTTGGATTGTAA  
TGATTGTATGTGCAGAGAGAGAACTCATAAAGTCTTTTTCTTTTTTTCTTGTTCTGGGTGACCGTTGTATTG  
TACATAGACAGAAGTATTTAATTGCGTCAATTAGATAATCTTCTGACAGGCATTACAATCACATAACTGAAAT  
TATTTTATGTATGAAACTAGTGAGAATTT

>trans\_c\_4639 DQ995336|Solanum tuberosum EBP1 mRNA, complete cds

CGGGGGTAACCCTAAATCCTTCTTCCGGGTCTCAGCCACTTTTCTTGCTTCAACTTTCACTTCTCTATCCTAATT  
TGCTTCATCTTCTTCTTTCGCCGTATCCAAATCCCTCCCACTGCTTGTTGTTCTTCACCGCCGTAAATGATGTCC  
GACGAGGAAAGAGAGGAGAAGGAGCTCGATCTTACTTCTCCTGAAGTAGTCACCAAATACAAGAGCGCCGCC  
GAGATTGCCAACAAAGGCATTGCAGTTGGTGATATCGGAATGCAAACCAAAGACGAAGATTGTTGACATTTGC  
GAGAAAGGGGATTCTTCATTAGGGAACAACTGGAAATATGTACAAGAATGTCAAGAAGAAGATTGAAAG  
AGGCGTTGCTTTTCCAATTGCATTTCTGTTAACAACACTATATGCCATTTCTCTCCGCTTCAAGTGACGAGAC  
AGTGTTGGAAGAGGGCGATATGGTTAAGATTGATTTGGGTTGTCATATTGACGGGTTTATTGCTGTAGTCGCT  
CATACTCATGTGCTGCAAGAAGGTCCGGTTACAGGAAGAGCTGCTGATGTAATTGCAGCTGCTAACACTGCAG  
CTGAAGTTGCCTTGAGGCTTGTGAGACCTGGAAAAAAGAACAAGGATGTTACAGAAGCAATTCAAAGGTTG  
CCGCTTCTATGACTGCAAAATTGTGCAAGGTGTTCTTAGCCATCAGCTGAAGCAGTTTGTGATTGATGGGAA  
CAAGGTTGTATTGAGTGTTGCCAATCCTG

>trans\_c\_4640 Novel Gene

ATGTGGTTTAATTCGATACAACGCGCAAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAAC  
GGGATGGTAATTTCATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTCGTGAGATGTTTGGTCAAGTCCTAT  
AACGAGCGAAACCTCGTTTTGTGTTGCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTGGCAACCGAAGTTCCGC  
GAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCGACTAATTGAGTGCCAGCACGTAGCAGTGCTGTCAGTCAGAAGGGA  
GCCTTATCCTTTGAAGGAAGCACTTTCGAGTGTGCGCTCTATAGCGCGCTTTACTAAATCGGCATTGAGGCGA  
GCCACCCGGTGGTGTGGTACGAAGTGGGTTTAGTACGCCCTGCCAAAACGGGTCCTCACTATAGTGAAAGGT  
GCGTGCCGCACTCACGAGGGACTGCCAGTGAGATACTGGAGGAAGGTGGGGATGACGTCAAGTCCGCATGG  
CCCTTATGGGCTGGGCCACACACGTGCTACAATGGCAATGACAATGGGAAGCAAGGCTGTAAGGCGGAGCG  
AATCCGGAAAGATTGCCTCAGTTCGGATTGTTCTCTGCAACTCGGGAACATGAAGTTGGAATCGCTAGTAATC  
GCGGATCAGCATGCCGCGGTGAATACGTTCCCGGGCCTGTACACACCGCCCGTCACACCATGGGAGTTTGT  
GCACCAGACTGCTTGCTGAGCCAGAATCCCTCCCGCG

>trans\_c\_4641 Novel Gene

GCTCTTTCGTTCAAATACTCTTTTACTGCGACAATAAATCCATCACATTAAACCACAAATCCCAATCGGAAAAAA  
GCAGATTCAGAGAATCAACGGCAATGGAGAATGACAGAAGGCCTGGAAGGAGCGACGCTCGTTTATCCATG  
GAGGAAGAAAGAGAGATGGAGGCCAAAACCTCGAGAGTATTTCAATGGCGTAGCAACGAAGCGCCACACTAA  
GCCTCAGCGCAGCGAGTTCTGCTCATTACGTCGATAAAGTAAATGACGAGGATAATTACATTCTGAACTC  
GCCGAGTTTCAGCGCCTTGAATCTGATCCTCACGAGAGACTTACTTATGATGGACGTAATGGCAAGATCTCTG  
AGGAATTTGTGGAGACGAAGTACTATGATGATCTCAATTGTGTAGACAAACAGCACCACACGACAGGAACAG  
GATTCATAAAAATGGAGAATGGAGATTGCAAAGGTTTTAGACTCGCACCAGATTCTGCAGCTGCCGATTGCTG  
CCATGGATCTTGAGGGGTAATCCGGCGACGCCATACTGGATTCCGGCCAGTAATGATCCGGGACATTTTACT  
TTTTGGCTTTGGGAAGCCAAACAGAAGTGATAATTAGTGAAGAAGAAAAACAACCTATTGTTGCCATTCTTAA  
GGAGTTAAGAGTTAAGACGTTGCATTGCATGGAGAAGTAGTGCGCTGCGAAATGTTATATTATTCTGCTTAT  
GGGTCACGTTGAAAGGAAAAAAGACCACAATATT

>trans\_c\_4642 EU016780|Anethum graveolens NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 2  
(ndhB) gene, partial cds; chloroplast

TAATTTTTGGCCTAATTCTTCTTCTGATGATCGATTAACTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTTCAT  
CTCTTCAACAAGTTTAGTAATGAGCATAACGGCCCTATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTT  
CGGGAAATTTCAAACGAACAATTTCAACGAAATCTTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCC  
TCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGGCTATAACAGAGTTTCTGTTATTCGTATTAACAGCTACTC

TAGGAGGAATGTTTTATGCGGTGCTAATGATTTAATAACTATCTTTGTAGCTCTAGAATGTTTCAGTTTATGCT  
CCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGTACGGTCTAATGAGGCTACTATGAAATATTTACTCATGGGT  
GGGGCAAGTTCTTCTATTCTGGTTTATGGTTTCTTGGCTATATGGTTTATCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCA  
AGAAATAGTAAATGGTCTTCTCAATACACAAATGTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCA  
CTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCTAGCCCCCTTTTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCC  
ACTCCAGTCCACACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACACATCCACGCCAG  
GACCCCCGGACCAAAT

>trans\_c\_4643 DQ097727|Arachis hypogaea ubiquitin-conjugating enzyme 2 mRNA, complete cds

GTGCGATCATACCAGCACTAATGCACCGGATCCCATCTATCTTTTATGACACGCTTCTCTCTACACTTGCTT  
CTTTAACTTTCGGAACCCTAACTCAGTACCCCGAGCTTCAAAAAATGGGTGATGAAGCCGCGAAAGTTGTTGT  
TCCTCGAAACTTCAGATTACTGGAAGAACTTGAAAGAGGTGAAAAAGGAATTGGAGATGGAAGTGTGAGTTA  
TGGAATGGATGATGCTGATGATATCTATATGGCGTCTTGGACAGGAAGTATTATTGGGCCACCTAACACTGTT  
CATGAAGGACGCATCTATCAACTCAAGTTATTCTGCGGACAGGATTATCCCGATAATCCTCCAAATGTTAGATT  
TCAAACACGGGTAAATATGACCTGTGTCAATCCAGAACTGGGGTGGTGAACCAAGCCTTTTCCCCATGCTT  
GCTAATTGGCAAAGGGAGCATACAATGGAGGACATATTAATGCAATTGAAGAAAGAAATGACTTCTCCCCAG  
AAACAGGAGACTAAGTCAGCCTTCTGAAGGTAATGAAGATGGAAGAATGGACCAAAAGGGGTTAGTGTTGA  
AATGTTGCATTCTTTAAGGTAAAAAGGCCAAATATGATAATGTAAATAAACACAGACATTTGATGTTACTATTT  
AAGCAACATGCTTATGTCTACACGCATATGAATGAAGTTGAGTTGTTTTCCATTAAAGTGACGTGTTTGTTGA  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4644 AJ580822|Lotus corniculatus var. japonicus gene for coatomer alpha subunit-like protein

CTCATTTAAGACTTGCCTTGCAGAACGCAATGACTGTTTGCTTCAAGGCTAAGAACCTTGCTACCGCTGGTAAC  
TTTGCCAGGCGTCTGCTTGAAACCAATCCCGTCGTTGAGAACCAAGCAAAGGCAGCCAGGCAAGTGCTGCAG  
GCTTCTGAGAGGAATATGACAGATGCTGCCAACTCAACTATGATTTTAGAAATCCCTTTGTGATCTGTGGGG  
CTACACATGTGCCAATTTATCGAGGACAGAAAGATGTCTCGTGCCCGTACTGCAGTGCCCGGTTTGTCGCCAG  
CCAGGAAGGTCAGCTTTGTACTGTTTGTGATCTCGCTGCTGTTGGAGCAGATGCATCTGGACTACTCTGCTCTC  
CTTCCCAGATTTCGATGATTTGCTAGACTGTGAGTGTTTACAGCCATTACTCGAACTCGCCCTTGCAACCAAAGG  
TATTTCTTCGTCACCGATATACTGCAAGAACAGTGAAGTGAAGTTATGAAGCATAAAAGAGTCAACTTCT  
GATGCAAGGTCCGGTCTCTACTATCTCCTTTGGCCTAATTCTGTTTCTTTCAACCTCTGTTTAGTTATTATATACC  
ATATTCAGAAATTCATGAATTTGACTTTCCTATTCTTTGTTAAGTTGTTTCATAGACCTTTATCAAATAGATTAT  
TTTGATGCAGGTGTTTACGATTCAATTATTAGAAATTGTTTCGTAAACATGATTATGTCCTTGCCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4645 AM180573|Arabidopsis thaliana mam-L gene for methylthioalkylmalate synthase L, exons 1-10, ecotype Sorbo

TGGATGGTTAGGAGAGGTTCTTCGAGAAATACTAGCACCAGATTCATTAATCCAGAACTTGGAGGACATGCTG  
GGGTATGTTTAAAATTACCACCATGCGGGACCTCTTGTTAGCTGCATCCATTGCCCTACAGCTGGATTCAATT  
CATCATATGGATTCTTCAGTCACAGTGCGGAAGAAAGTGACAGCGACTGCTCGAAAAGCTGTGCAAGATCCAT  
CTTGGCATTCCCATTATTGAGCTGTGCGCATGAACTATTGACGAAGTGTCCAAACAGCGTTCACATTCTTCATG  
TTCCAATATGCTGCCCCACGCAAGGTCGAGGGCAGGTAATATGGGCTACGTCTGGGGCTTCAAAGTTATAATG  
ATACCAAGATTTGCTCCATTTGGCATCTGAGATGTTGCTTCGGAATATTGCAATGTTGATGCTGAGGAGGTCT  
GGGATTTTGGTAACGACCTATATACTGCATGGATAATCCGAAGAAGGTAGAACATAACTTCCGCAGATGAGA

AATTGAATAATGTAATGAGTTATTGTATCATTTAGGAAAATGATTATTTAGCCATTCAAATAGGTTATATACTTT  
ATCCATCACTGTGAAAATTGGAATGTAAATGTAGACTGGCCCCTTTTGTGTAAATGCCATGATAGTTTGTCACT  
TTTTGTTTTGTTTCGGTTTGATTTTTTCGGATTCAGTTTTCTGTACACCCCAGATGCCTATGTATGGATGTTATATGA  
TGTTATTGAAGGCAGATTCTTGAT

>trans\_c\_4646 NM\_180385|Arabidopsis thaliana OTU-like cysteine protease family protein  
(AT3G57810) mRNA, complete cds

CAATTTCAAATAATCCGAATTCCTGGTGATGGAAGATGTTTGTTTAGATCGGTGGTTCATGGTGCTTGTCTCAG  
ATCGGGCAAGCTGGCTCCAAGCGAGGTTCTTCAAAAGGAGCTTGACAGAGCTCAGAGAAAACGTTGCAAA  
TGAGTTGATGAAGAGGCGTTTGGACACTGAGCGGTTTATCGAAGGTGACTTCGGACAGTATGTTAGACACAT  
GCGCCAACCACATGTATGGGGAGGAGAACCTGAGTTACTCATGTCTGTCACATGTCCTACAGATGCCAATCTCA  
GTGTACATGTGTGACAAGATGTCAGGAAATCTCAAGGTCATAGCTGAGTATGGGCAGGAGTATGGCAAAGAA  
AATCCCATCCGCGTCTTTTTCCACAGCTACGGACATTACGATTCTTGAAAGCTCCATGCAATTAAAGAAGTAA  
TATCCCTTTGCTTCCCTATCTATTAGTATTTGCTTCTGTGAGAAAAGATTGTGAGGGATGTGAATCATAACCAT  
TTCAAAATAGCTTTTCCCCTTCTAGAAAAGCCAATTTCTTATAATAATTACTGATGAATCGGCTATGCTAAGTA  
AATAGAGGTAAGCAAACAAGCCATTACCATCACAAAAGTCGATGGTTTTGATCTCTCTTCCCACTTATCATTG  
ACACTTTAGTGAATTGCACAAGAATTGGTGCCTGCGCCAAGTATATGTATGAATTATAAATCTTTCTAGTAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4647 NM\_001187697|Oryza sativa Japonica Group Os06g0174325 (Os06g0174325)  
mRNA, complete cds

CTTGCAAATTGTCCAGACCATAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGGAGGGAGAGAGGAAGTACGGTTCGATG  
ATGGCCAATCTTTCATTCTAAAGTTTCCAAGTTTCAGTTCCAGCTTAAGGACTGTCTCTGCTTCAGCTTCATCA  
AATGGTGCTCTTCCGTTGTCAGCAGGGAGTGGCAACGGCAGTGGGCCAATGATCCTGGAGCTTCTCTGGAG  
AAGATACGGAGACCTCTAATGAGAACCAGAGCTAACGACCCTGATAAAGTCAAAGAATAATGGACAGCATA  
CAAGAAATTGGCCTTCAAGTACCCTTTTCTACTGTGCTGTTTGAGCAATTGGTATCCATTAAAAAATGATTGA  
TGTACTIONAAGTTGATGGAGTTTATTATGGTTTCTCTGGTTGTCATCGCTATGAAGCTCATCAACGTCCGGGGC  
TTCCTACAATCCGCTGCAAAATTCGTCGTGGAATAAAGAAACATTGAGGCACCACCTACGTTGAATACCTAC  
GTTGAAGTTTCAATAGGTTGCCTTACCTTCTGGTAGTAAATTTGCAAGTTCCATCAAATCTTTATTGTTTATTA  
ATGCTACAAAAGAGCTATTACTGAATTCTTAAACAAACATACTGTGTATATATCAATCATTGGAAATATTTTC  
AATGTCAAAGTTTAGTTGTAAATAAAGTAAACCATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4648 AY139986|Arabidopsis thaliana expressed protein (At3g12930) mRNA, complete cds

TCACGGCAAAAGGAACAAGCATGGCGTTATCCACTACCTTATCTCTTCACGGCGCCGGCGCCGGAACCTTGTT  
CGGCGGTGATCTCTGGCAATTGGGTCACAATTATTTTCGGAGTTTTCAGAAGACCCAGAAAACAAATTTTCTGCT  
CATGCTGGAATGGGTCTCCATTTCATACCGAACTGCATTTGGAGGGTACCCTCTGCAAATAACTTCTATTTG  
AAGTCAGTTGAGTCTCGCCATTGTTTCGCCGTCCGAGGAGAAGCTGAAGATGGCTTTTTATCGAATATGAATG  
ATGATACTAATGACATGTACGATGAATTGTTCAAGAAATATGGGAATGTGGTATTCAAGAGCAATGACCAAAA  
GCCTCTAGTGCAGAAATTGACGATGACGCAGAAAGCCTTTCATTTGCTGTATCAATGGCGAAGGTTGCAAGT  
GATGTAAAGGCTGCAGATATCCGGGTTCTATTTGTGAAACCTCTAGTTTATTGGACAAGGTTTTTCATCATTGC  
AACAGCATTTTCTCGCCCTCAGATCGATGCTATAGGATCCCGGATAAGAGATCTTGCCGAGAAGAAGTACGGA  
AGAAGTCCTTCTGGTGACGTGAAGCCAAATTCCTGGACTTTATTGGATTTTGGAGATGTGGTTATCCATATTTT



TCTACCCCAGCAGAGGGCTTTCTATAACTTGGAAGAGTTCTATGGCAATGCAACTCCCGTGGAGCTACCGTTC  
GAAAACCAACGGCCGTTTTGAAGTAAA

>trans\_c\_4649 Novel Gene

GAGCTCCAGCCGGCAGCCACACCAACCTTCTGCCTTCGTCTTCCATCCAAATTCTCAGCTCTAAACCTACTCGAC  
ATGGCACCTAAGAAGGACAAGGCTCCTCCTCCATCCTCCAAGCCCGCTAAATCTGGCGGAGGAAAGCAGAAG  
AAGAAGAAATGGAGCAAGGGAAAGCAGAAGGAGAAGGTGAACAACATGGTATTGTTTGATCAGGGAACCTA  
TGACAAGCTTCTTTTCTGAGAAGCTCCAAAGTTCAAGCTTATTACTCCTTCCATCCTTTCTGACAGATTAAGGATCAA  
TGGATCATTGGCACGTCGGGCGATCAAGGATTAATGGCGAGAGGTTCTATCCGGCTCATATCTGCTCATTCT  
AGTCAGCAAATATACACTAGAGCCACAAATACATGATCAAAGAATTGCCATTTAAAGGAGGAACATCTTGTT  
TTCTTGCATCTCGTCAGAACTATCTATGATTTTGAATATCGGCATGTTTGCATTTAGAACTGGATGAATTATTT  
GCACTGCTTGATCGGATATATTTTTATATAATTTGCATTTTGTCTTCATTTCTTTGAGTTCCTCTAGCAAATGAG  
CAAGCATGTACTATTGATTTTGGATTAGAGATTCGTGGTCTCTACTTTGTGATGGAAGAAAAAATACTGAAAC  
ATCTTATGTAAAGGGTCGTAAGGCACTATTTAATGGCTCAATGAATTCATTTGACTTTTCATTTCTTGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4650 Z97558|Arabidopsis thaliana mRNA for argininosuccinate lyase

TCACTTCACTCGGCCATGACAAAACCTCGATGTTCACTGCTGCCTCTCAGGCTACTGGAGCATCCTCCGCCGCCTC  
CAAGCAACCCGAGGCCAAGGAAATTAAGCTATGGGGAGGCCGCTTCCAGGAGAGCGTAACAGACGCGGTGCG  
AACGCTTTACGGAGTCGATTTCTATGATAAGGACCTTTACAAGCATGATATCCGTGGCAGTCGTGCTCATGCA  
TCCATGCTCGCTAAGCAGGGATTGATGAGTATCAGTGACAGGGACAGTATTCTAGCAGGTCTCGATGAGATC  
GAGAGGCGTATTCAAATGGCGAGTTCGTCTGGAGAGCTGACAGGGAAGATGTTTCATATGAACATTGAAGCT  
GCGCTTACTGATTTGATTGGCGAGCCTGCTAAGAACTGCATACTGCTCGGAGCCGCAACGACCAGGTAGCG  
ACTGATTTTCGCTTGTGGTGCCGAGATGCTATTGATTCAATATTTGAGAGGATTAAAGATTTTCAAGTTGCAAT  
GGTAGACTTGGCAGTCAAGAATGCAGGAATTATTGTGCCAGGTTATACACATTTGCAGAGAGCACAGCCCGT  
CCTACTTCAGCATCTTCTCTTAGCATTGTTGAGCAGCCCGATAGGGATGCTGGTCGTTTGTGACTGCGAGAG  
CTAGACTGAATTTCTGCCCTTAGGAGCTTGTGCTTTGGCTGGCACTGGCCTTCCAATTGATCGATTCATGACA  
TCGAGTGCTATAGAATTCTCATCTCCCTTGA

>trans\_c\_4651 AF097668|Mesembryanthemum crystallinum T-complex protein 1 epsilon subunit  
(TCP-1-EPSILON) mRNA, partial cds

TTATGTGTCGCTAGGAATCTCATTGCAATAACTCCATAGTATATGGCGGTGGCTCAGCTGAGATTTCTTGTTT  
AGTTGCTGTTGAGACAGCTGCTGATAAGTACCCTGGAGTTGAGCAGTATGCTATTAGGGCATTGCTGATGCT  
CTGGACGCTGTTCCAATGGCACTTGCAGGAGAACAGTGGCTTACAACCCATTGAAACACTTTCTGCTGTAAAT  
CTCAGCAAATCAAGGAGAACAATCCTTATTGTGGAATTGACTGCAATGATATTGGCACAATGACATGCGGGA  
GCAAAACGTATTTGAGACTTTGATCGGTAAGCAACAACAGATTTTACTGGCAACTCAGGTCGTGAAGATGATT  
CTGAAGATTGATGATGTCATTTCTCCTTTGGATTATTAACGCATTTGTGATTTTCGCTGCCTTCACTTATTGGCC  
ATGGCTTTCTAATGGCATGCATGCTCAGTTGTGAGTGACGTGAGACTCCTTTCTACTTTAGTTATAGTAGGGG  
AATGTTATGTACCTTAGAATTTTTGCTGGCATTATTTAAAATTTAGAGTGTATGGTTTTTGGGAATGATAGAT  
TATTGTTTGTGTGAATGTAAGGAGGGATGAGCTCAATATAAGCCTAAGGCTTTCTCTTGGTTAGTCTGGTTTAT  
ACATGAGCAATGTGACATCATTACCAACTCTTTAGTGCTATCTTCAATTTCTCGGATTTGGTATATTTATTAT  
CAATGGATGGAGGAATGTTT

>trans\_c\_4652 BT003103|Arabidopsis thaliana At5g58240 mRNA, complete cds

AAGACAACACTCAAAAGAATCGAAATTATGGTATTAAGGTTTCAAGCATCTCGCGCGTTGCTTCCACTTACCCC  
TTCTTCTTCTCCTCAAATTTTGGCCTTCAATACAATTAGGGTTCACTTCAATTTCTTCTTCTCCGACCAAATCGTTCA  
CCATCATGGCGGCATCCGATCACTACACTTTTGGGCGTTACAAGATTGATCCCAAAGAAGTGTCTACTGCACC  
ACTCTCTCTTACGCCATGGTCAACCTCCGTCTCTTCTTCTCTGGTCACGTGCTCGTCTGCCCAAACGTGAAGTT  
CAGCGCTTTGCTGATCTTACTGCTGATGAGACTTGTGATTTATGGCTCGCAGCTCAGCGGGTTGGTCAAAAGC  
TAGAGTTGTACCATAAAGCTTCATCACTCACATTCGCAATTCAAGACGGTCCTCAGGCCGGGCAAACGTGTACCC  
CATGTTTACATTCATGTTCTCCCAAGGAAGGGTGGTGACTTTGAGAAAAATGATGAGATTTATGATGCTCTTG  
ATGAGAAGGAGAAAGAATTAAAGCAACATCTTGATTTGGACAAGGAGAGAAAAGATAGAAATATGGAAGAG  
ATGGCTGAAGAGGCAGATCAGTACAGAAAGCTTTTGTGTAACCTCCTTTTCTTTTCTTTTGAACAATTGGGTT  
GTAGTTTTATGACATCATAAAGTATTGAAAAATTAATTTATCATATGAAAGTCATGGATGGGACTAAATTCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4653 Novel Gene

TACGACGCTCCCCTTCTTGGCCACCACTGCACGAGTCTTCCCTCCACCACCCAAGCCCCAGACAATCGGTGGT  
GAACGATCTCGCATCACGGAAGTTCCACCGCGCATGGGCGTTACGCACAGGCATCGCACACGGCTGCAGAA  
GATCGACTCTGCTCCACCACAACGCAGATGCTCCACCACAGTCGGTCATGCACAGGCCCAACTTCGATCCATC  
GCACACAACCTGAGGCGGCTGCGGATCTTCTGGCTCTACGACCCAAGCTACAGACCTTCTTCTCCACCATGGA  
CGGTTGCGCACAATAACAATATGGTTGATTTTCAGATTCAAGTTGTCGTCTTCTATTTCGTTTGATTTTCTGAT  
TCAAGTCGTCGTTGTCTTTCTTAAGTTTTCGTTCTACACATTTTCTTCTCAGCCACTTACGTGATTTTTCTTCGGC  
CACTTACTGTGATGAATCTAAATATTTGGGTGATTAGGAGAAGTGGAATTACAATTTGTTTACAGGAAGGTT  
GGCTAGTGATTTCAATATTTGGCCACTTTTGTAAAAACGCTAGTCCCATGAGTTGCAACGACAGTATTTCAAT  
ATTTTTTGATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4654 AY035144|Arabidopsis thaliana At5g64460 mRNA sequence

GTCAAACACTACTCTCCATTTCTTTCGAAACCCCTCAATTTTCTCTCTTCCCCACCTCCATTTCCACCCCAATTTAC  
CCACTTCTTGCTGCTCGCTCCTCCTTCATCCCTTCTTTCGATATGGATAATGGTGCGGGTCTCAGTTTGTATC  
CACTACACCGTTGCAAAACAATTCACCTGGTTAGTATCACATTTGAGATCTGCTTGTTTTATATCTAATGAGTA  
TTGCAGATGTGAAGCAGATTGTATTTGACTTGAAGGACATTCAAGATGGCCTTCTTCTTGCTTTTGCTCGCA  
AATCAAGGGCTCTTATAAAACAATACATCCAGGTCAGGCATGCACAGGGGATCCACAATGTTGATGGAGATA  
AGAGTTATAAAGCATATATGCGTCCTGAGTTTTTTGATGCTCACATTACTCAGCTTGATGGCAGCAGATTGAT  
AATTTGCGTAAGCATGTTTCATGCATCCGGTCTTTCAGGAAGATTGATTTGGTTGTAACATCCCTTTGCTCAG  
GACTCTACAAACCGCTGTTGGAGTATTTGGTGGCGAAGGTTATACACCTGGAATGGACGTGCTTCCCCTAATG  
ATTGCAAATGCCGGCAACAGTGCACGAGCTGCAATTTCAAGTCTAACTGCCACCCATTGCTGCTGTTGAGC  
TTTGTGCTGAACATTTGGGAGTTCATCCTTGTGACAAGAGAAGAAACATCAGTGATTATCAATTCCTCTTCTCT  
GCAGTTGATTTTCACTG

>trans\_c\_4655 Novel Gene

AGAAAAGCTGGAAGATCCCCTGATTGGCACACCGAAGGAAAGAAATGGAACGATTCTATGTCTAATAACCAC  
CACCATGCTTTGGACGATGGAACTGCAAGAATCGATCCATTTATTGAGATAGGGAGCTCAAAGACATGCTC  
ATGAGAATCACTTATAAGTTAATAATGTCAAGGATCTAGTTCCCTGTTATATTGTAGAATAGCATGCATGACCT  
GGGTAGTCCAAGTACTGGACATATCATTGCGGTGAAGATTATACTGTTGCCATGGAACAATGCATCATAAAAT  
TATAAGAATTATGAATGGATGCTTCACCTGCCAATGTTAGGAACTTAAATATTTACCACTTGAAGGCGTTTGT

TTCATCATCAGTCCTTTAAAAGCTCATATGCTAAGCGGAGATGACACGAAATTGAGTGCAGACATAAGCTTGC  
TTCTGCCATTTTTCAAGCAAGGAAAGGAAGCCAGGAGAACTGTTCTTTGGTCGTAATTAATATTATGTTTCAGG  
TGTAATCTAGGATCGTTATATTATGCTTTTAACTCACCAGTTATTAATGTAATTTGGTTTACAGTATCGTTTTCAT  
AGTTCATGTAAAATTCCGGTCTAGGATTCAATTGTATCTCTCAGTTGAGCTTTTGTGAGTATATTGCCTAAAGC  
CGAGTGAAAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAAATTATAATGCAGGGTGGGAATTGCCCTTTTTTTGATAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4656 NM\_124910|Arabidopsis thaliana FTSZ1-1; protein binding / structural molecule  
(FTSZ1-1) mRNA, complete cds

AATTCGGGGGGGGATGCTCTCCGATAATGGCAACTTTTCACCTCACAAATCTATCTTCTTCTTCACTTCACC  
CTCAATTTTCATCATAAGACATCCTTCTTTCCCTCCAATTTTCCCCGGACTTGTTCTTCTTAATGCCAAGCGGAA  
ATTCCCGTCTCGGAGACACCATCTTGCTGTTGTGGGCTGCTCATTTCCCTATGGAGTCCGCTAAGATTAAGG  
TTGTGGGAGTTGGTGGTGGCGGCAACAATGCCGTTAATCGCATGATTGGCAGTGGTTGAAGAGTGTGATT  
TCTATGCTATAAATACGGATTCTCAAGCTCTACTACAGTCTGCTGCTGAGAATCCACTTCAAATTGGAGAGCTT  
CTGACGCGTGGTCTAGGTACTGGCGGGAATCCACTTTTAGGAGAACAAGCGGCAGAAGAATCAAAGGAAGC  
AATAGCTGGTGTCTCAAGGGCTCTGATCTTGTGTTTATAACGGCTGGTATGGGTGGAGGCACTGGGTCTGGT  
GCAGCCCTGTTGTTGCCAGATTCCAAGGAGGCCGTTACCTTACTGTTGGTGTGTTACTTTTCATTACAGT  
TTTGAGGGAAGAAAACGATCCTTGACGGCACTGGAGGCCATTGAAAAGTTGCAGAAAAATGTTGACACTCTT  
ATAGTGATCCCCAATGATCGGTTGCTTGACATTGCCGATGAACAGACACCTCTCAAGATGCTTCTCTTCTGC  
TGATGATGTCCTACNGTCAGGAGT

>trans\_c\_4657 NM\_203202|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT5G53850) mRNA, complete cds

ACACTGGGCTAACAAAGAGGAATAACAATTCCACTCACGATTCGCTTCTAATTTTTCGTCTATTAAAGTTAAA  
CACTTTTTCAATTTCAAGCTAAACCACCTATTTTTTCGGTGAGCTTCTCCGTTTTAACATAGAAATAGCTCTTCATG  
GCAACGGCATCAGATGTGGGTGTGAACGGAGAGAAGAGGGCTAAGATATCCCTGATTTCTTGAAAAGTAA  
GGGGGTCCATGAACTAAGGCTTTACTTGACAGAGCTGTGCCGCCATTTTACGGGCTTGGATGGGTCTCTGGA  
ACTGGCGGTAGTATCACCATCAAGGCCACGATGATGCTATTCCCAAGCAGAATCAGCTCGTCGTCATGTCTC  
CTTCTGGCGTTCAAAAGGAGCGAATGGCGCCGGAGGACATGTATGTGTTATCTCCGGATGGTTCTGTCTTATC  
TTCTCTACCGTGAAGCCATACCCACACAAGCCTCCAAAATGTTCCGACTGTGGTCTCTTTTTATGAAGGCAT  
ATCAAATGCGTGATGCTGGAGCTGTTATTCACAGTCATGGGATAGAATCATGCCTTGCAACAATGATCAATCC  
ATCAGCAAAGGAATTTAGAATTACTCATATGGAAATGATTAAAGGAATCAAAGGGCATGGTTACTATGATGAA  
CTTGTGATCCCAATAATAGAAAATACAGCTTATGAGTATGAGCTCACAGAATCTCTAGCTAAAGCATTGAAGC  
CTACCCGAAACAACTGCTGTGCTTGT

>trans\_c\_4658 AJ538983|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT34-M1-008

TCTCCACTCTCCAAATCCCAATTCCTTGTTCCTTTTTCTTTCAAAATTTGAAGACCAAACAAATCTAATGGCC  
GCCGTACCTCCGCCGCCGCTGCCGCCGTCCGCACTTCTCTGGTCCAGAACCGCCCCGCTCTGCCGTCGGCTTC  
ACCCGCCCCATTCTTCTTGGGTTACCTGCCTTGGGAAAGAAAGGAGGAGTGAGGTGTTCAATGGAAGGAAA  
AGGAAATGGAGAAGTTGAAAACAAATCAAGCAACTTGGGGATGGGGGCGTCGTTGATAGCTGCGGCGTGTG  
CTGCAACGATGTCGAGCCCGGCCATGGCTTTGGTGGATGAGAGACTGAGCACTGAAGGGACTGGCCTTCCAT  
TTGGTTTGAGCAACAATCTTCTTGGTTGGATTCTGTTGGGAGTTTTTGGTCTCATTGGGCATTTTACATTGTTT  
ACACTTCTACTCTTGAAGAGGATGAAGAATCTGGCTTATCTCTTTAAGCCAACATTTCCCATCTTACTTACTAT  
TATTAATTATTGCTACTTTTGTATTGTTGTGGATATTTGCCTTTGGCTTGGGCCACACGGAAGCTTTTGAATT

CATATCATTCAAGCCTTTTGTTCGGGTATCAATGTAGAAAAAGTAAATGTGGTTCATAACTCTTCGTTTTATTT  
CTCTGAATTTTTTTAATATCGTCGAAGGAATTTATATGTTGTTTGATATCTGTAAAGTTTTTAAATCTAAGTTTA  
TAAAACCTTTTTTCGTT

>trans\_c\_4659 NM\_001066125 | *Oryza sativa* Japonica Group Os07g0467200 (Os07g0467200)  
mRNA, complete cds

CATTTCATTATACTACTTCACACCACACACACATCTGAATTGAGTTAACTATGGCATCCATTGTAGCCATTTCTTC  
TCCTTCTTCTCCCTATCAACAAGAGCCGGCCTTCTTCTCCTCGTAGTTTCAACGACAATGGACGACGTCGTAC  
GGTTGTCGTAAGAGCTGAAGGCAGCAGCGGCGAACATATAAACCTGCAATCAGAAAGAGTGAAGAGAAAG  
TGGTGGACTCTGTGCTCATTGCTGAACCTTCCAAGCCTCTCACTCCTTATTGCAGATGTTGGAGGTCAGGGACA  
TTTCCTCTTTGTGATGGAAGCCATGTTAAGCACAACAAAGCAACTGGAGATAACGTTGGTCCTTTACTCTTGAA  
GAAGTAGTAGACAGACACACATTCTCATGTTTTCTTTTATTACTTTTTTATTCTCCAACCTCTTATTCCATTG  
CTTCCTGAGTTTCAAATGTGCTTTCCTAATCTCTCTCCTACTTAACTTCTTCTGCTGAGAAAAACCTTTGAGGT  
TGTTTTAGAAATAACCACTTTTGTCTCCTCGTAGTAGACGAAAGTATGTTTGTGAATGATTTTGAATATATCAAA  
AAATTCCATTTGAAGATCATTCCCAAATAATCTTATTCTCAGTTGGAAAGTCACTTTTATATGATTCATGAAG  
TGATAATTTACCATGTATGTTGAGAAATTCATATCACAATAGAACCGATTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4660 AF240465 | *Arabidopsis thaliana* Glu-tRNA(Gln) amidotransferase subunit C mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATTTTGGTTTCCGCCATTAGTAGTTGGATCGAAATGGGAAGTAAAGCTCTTCCTCTGCTCAAAGGAGCTTCATC  
ATTCCCATCGTTAAAGCGCCAAATCTTCATCTCTACCGCCTTCCATTCCCTCCTGTTTCCAACATCACAAATCCGA  
AAGTCTTCGACTGCTTCAGGAGTTTTAGCTTCTTCAACCTCCTGATGTTCTCGTTTAGCTCAAACAGCTCGA  
ATCTCTCTCACTCCCACTCAGGTTGAAGAATTTGCGCCTAAAATTACTCAAGTTGTTGACTGGTTTGGGCAGCT  
CCAGACAGTTGATCTTCAAAGTATTGAACCATCCATTAGAGCAGACACTGAAGGTGGCAATCAACGGAATGAC  
GTTCTGAAACATTTGAAAATAGAGAGGCCATGATTGGCGCAGTTCCAGTATTGATGAGCCGTATATCAAAG  
TTCCCAAAGTTCTGAATAAAGAGTAGTTGCTAAGGTTAGATTGGTTGTTTCATCTGTCTCATCATTATTG  
CATAGTCTTCAACACCTTATGTCATTGAAATGATTAATTCTGCTACAGGTTGTTACTACATGATATTTGAATTAA  
AATTTGAACTAATCATCCATTAATCTTAACCTTAGTTGCAATGTGTAATTCATATCTAGTTAAAGGGGCGGATT  
ACCACACATTCTTGTCTGTCACATGAGATATTTATCCAAAAAAATTCTGTGTTGCGAAAAAAAACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4661 NM\_001055105 | *Oryza sativa* Japonica Group Os02g0823600 (Os02g0823600)  
mRNA, complete cds

ACTGAGATTTATCGAAGGGTCCGTCAGTTGTTGAGATTGCGGATCGTCTTCTTCAATCTCTTGGAATTCGATT  
GAAAATGGTTTGCTTGGCGTGCCTGTTGCCTCTGTTTCTTATTCCAGTCGTCAACGCCCTCCTGTTCTATTCTAT  
TTAATTATGGGCAAAATTTATGGAATTTTGGCTGGGAATATAGAAAACCGCAGGTGGTACCGCCGGCTTGTC  
CCTATCGCCCTGCTGCCAAACAAAATAGCAATGTGGAGTTGGAACCTCTAGCTGGTCAGCAACACCCACCTCC  
AAAACCGGTAGATGCCATGGATGATAAGCAAGACTGAGTCTGAACTTTCTTGTACATACCTGTCAGCAAG  
ATGGACAAATATTTGGGACTCTGGACTGGAATCTGTGGAAGCCGTTGATTTTAGGAACTATGATTCCAATCG  
GTCAGAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAACTTCAAACCTCAAACACTAATACCATCAATACAGTTCATTTTGT  
AGTGCCTGCTTTCTGAATAACACCAATACAGACATTGTATGTATACTTTCTGAATAATTTAGTTGGATGGCTTG  
AATATGTTCTCCTTAGATTTAGTTAATTAACGCTCGTGGATTCTTCTGTAGGAAGAAAAAATGGAATTGGCCT

AAAACATTACCTTAATGTCTTCCAACCTCTTTTGCTCCGTTAGAAATTTGACATTGATGTCTTGTCTGCCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4662 GU223224|Pisum sativum sulfiredoxin precursor protein (Srx) gene, complete cds

CTTCTTGCAAATTGTCCAGACCATAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGGGGAGGGAGAGAGGAAGTACGGT  
CGATGATGGCCAATCTCTTCATTCTAAAGTTTCCAAGTTTCAGTTCCAGCTTAAGGACTGTCTCTGCTTCAGCTT  
CATCAAATGGTGCTCTTCCGTTGTCAGCAGGGAGTGGCAACGGCAGTGGGCCAATGATCCTGGAGCTTCCTCT  
GGAGAAGATACGGAGACCTCTAATGAGAACCAGAGCTAACGACCCTGATAAAGTCAAAGAACTAATGGACA  
GCATACAAGAAATTGGCCTTCAAGTACCCATTGATGTACTTGAAGTTGATGGAGTTTATTATGGTTTCTCTGGT  
TGTCATCACTATGAAGCTCATCAACGTCTGGGGCTTCCTACAATCCGCTGCAAAATTCGTCGTGGAACATAAAGA  
AACATTGAGGCACCACCTACGTTGAATACCTACGTTGAAGTTTCAATAGGTTGCCTTACCTTCTGGTAGTAAAT  
TTGCAAGTTCCATCAAACCTATTTATTGGTTATTAATGCTACAAAAGAGCTATTACTGAATTCTTAAACAAACAT  
ACTGTGTATATATCAATCATTGGAAATATTTTCAATGTCAAAGTTTAGTTGTAAATAAAGTAAACCATTACTTA  
TAGATCCATTTCAATTTCTTAACTCTTACTCATTGAACTTAATGCAATTGTCAACGATGAGATGGACAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4663 AB006601|Petunia x hybrida mRNA for ZPT2-14, complete cds

TGTGGGCATTGCGTCGATTGATGATCTAGATGCTGGTGGAGGGCCTCGATGACCATTGCTGAAAGCCGTTCCG  
AATAGCTCCTCCAGTCCAGGGCCAAATTCATTCCTACCCAATCCCCCTCCAATCCCAAATCCAAGCATTACCAA  
TGGCCCATTCTCGATTGTTCCCAATTTCCATCATCCCCACGAGTTTTCGTTTGCAAACCTGTAATCGTGAAT  
TCTCCTCCTTCAAGCTCTCGGCGGCCACAGAGCATCGCATCGGAAGCCCAAATCTCCATCTCCGCTGATGGT  
GTTTTTAATAGTACTAATCAGGTTAAGACGAAGTTTCATGAGTGTTCTATTTGCGGTGTTGAGTTCCTGTTGG  
GCAAGCGCTTGGTGGCCATATGCGACGCCATCGTAATTCTTCTCCTCCTCCGCTGTTGTTAATGATCATCCAC  
AGATGGGTCAGCCAGTCGTCTCCGATGAATCCGATTGTGATTGCGGTGTTGGTGGAGGTGTTGATTTGGATTT  
GAATCTCACCCCCTTGAGAATGATCTCGTTCGCTTGCAAGTTGATGGCTCCCCAGTCGGTTGCTTCACATAAT  
CATTATTGTTATTATTTGTATAAAATATTTAATTTCTTAATTTGATGATGATACACACAGAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4664 AB374406|Coptis japonica var. dissecta CYP82D3 mRNA for cytochrome P450,  
partial cds

CCCAAATGGTATAAATTCTGGAGTTTGTCCATTCACATCATAATTCTTTTCACTTGTCAAAAACCTCTCTGGACG  
AAATTCTGTTGGACTCTCCCAAACATTTGGATCTCTTTGGAGTTTATAAAGATTAACCCATAATCTTGTGCCTGC  
TGGAACGTGATAACCTGCCACTGTACAATCTTCAATAGATTCATGAGGGACTGAAAGTTGTGCTGCAGGATAT  
AGACGCAACGTTTCCTTCACAACCTGCTTGGAGATATATCAAATCATTTATGTCTGATTCACTTGCTTTCT  
CTCCCAACTCGTTCATCTAATTCAAGTTGGACGTTCTTGAGTGCTTCTTCATGTTTTAGGAGTAATGAAAGAGC  
CCATACCATTTCTGCTGTTGTGGTGTGAAATCCACCCAATATCATGGCCAAACATGTAGATTTGATGATGGTAT  
CGACATCGTAGCCGGAATAATCCTCGTCTTGGTTATAGACAACATGATGTGCATGAGATCTTGATCTTCAATC  
CCCACTCCAACGGAATTTCTTTTCTCTATGCTCTAAGCCATTTATCATGCATCTCGTCCATAATTTTCGCTG  
TCTTCTTCATGGATTTCTTGTACCCCCAAAGTCAAACCATCTTAACAACAGAAACAAATCTGACGGAACGAAA  
GCGATAAACAAATTAATAAATCTTTCAATGCATTCTGATACTTCCCCATCAATCCCTTTAAAGCAATGGA  
GAATCTTTTCCAAT

>trans\_c\_4665 NM\_100308|Arabidopsis thaliana RPS15 (CYTOSOLIC RIBOSOMAL PROTEIN S15);  
structural constituent of ribosome (RPS15) mRNA, complete cds

```
ATAAATGATCTTAATTTGACAATTTGCTCCACTCAAAACCCCTAGCAGCCAGAATCCCCATTTGCACTCACTCTA
CGGCTTCTTCTCATATCTGAACTCCAACCATGGCGGACGATAATCCCGATGTGGCGGCGGGCGGCAGGAGTCCC
GAAGAAGAGAACTTTCAAGAAGTTCAGTTTCCGTGGAGTCGATTTGGATGCTCTCCTCGACATGTCCACCGAT
GAGCTTGTCAAGCTCTTTACTGCCAGGGCTCGCAGAAGGTTCCGTAGGGGTCTGACAAGGAAGCCAATGGCT
CTTATCAAGAAGCTGCGTAAAGCGAAACGTGAGGCTCCACCAGGTGAGAAGCCAGAACCCGTTAGAACTCAC
CTTCGTAACATGATCATAGTACCTGAAATGATTGGAAGTATCATTGGAGTTTACAATGGAAAGACCTTCAATCA
GGTTGAAATCAAGCCTGAGATGATTGGCCATTACCTAGCTGAGTTTTCTATATCGTACAAGCCTGTTAAGCACG
GTAGACCTGGTATCGGTGCTACTCACTCGTCGAGGTTCAATCCTCTCAAGTGAGAAGAGCCATTTTTGGGTCTT
GGATTATACTCTGCATTTCTTCAAGTTTTATGGATATTTAATTATTTTTCTTTATTAGTCTATTTTTGGCTACTTTT
TGACTGGAATTTAATTTTCTACAAACAATGAAAGATAATTTGACGGGTTCAGACGCTGGTTCTTCAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
```

>trans\_c\_4666 BT011766|Arabidopsis thaliana At2g27385 mRNA, complete cds

```
ATGGCAATTCCAAGCTTGGTTAGAGCAGCACTTGTGTTGGGAGTGGTTGTTGTTGTTGCTGCCGCCGCCGCCA
CTGCCAGTGTTGAACATGCAATTACCACTGATCACCATATTCTCAAAGGGAAGGTCTTTGCCTCGACTGTCAT
GCCTCTTATGATCTTGCTGGGATCGTTGTGATGGCGAAGTGCGAAAAGGTTGGGAAGGTAGTTACAGCAACG
ACGGCCAATGATGGGGGTTTCGAGGCCGAGCTGCCTTCAGATGAGTGCAGAGCCAGGCTCGCCGGCGGTTCG
GAACCAGCTCTACGCCCCCACAAAAGACATGGTAGCTGGAATCGTGAAAGGCGTTGGTGGGTCCGATGAAAT
CTATGGCATCTCCACTCCGTTGGCGTTTTGCAGTTCTTGCCGGTGCCGGTCGATCGGCGCCAGTAGTACTGAA
GCGGAGAAACACTGCAAAGTCGTCGCCGGGAAGTTTGGATCGTCGAAGACCTTCAACCTGCCTCTGCCGCCG
GAGTGGGGGATGGCCCTTCAAGCTATTACTTTCTTTCTCCCTATCATTGGCATCCCTTAGATAATATAATTT
ACACTAATTTCTTTGCTTTTCTAGTAGTGTGTTGTTGATAATGATACATAAATATATGTGTGTGTTTATGGCAAT
TAACTTTAATGTTAATGTTTAGATACATATATATATGTGTGTGTATTTAATGGGTTTTTTTTTTTACAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
```

>trans\_c\_4667 NM\_119482|Arabidopsis thaliana DNA binding / transcription factor (AT4G33280)  
mRNA, complete cds

```
AATTATTTCCACCCCTGAACCTGTTCACTCAGTCATCAGATTCTGATATGGAAGCTACTCCCGTTAAGAAAATTGGGT
CATATGTTGAGCAATACGTATCCCATCGGAGGGCTATAACCGAAGGTGAGAAGAACAATGCCCTGAAGTTGG
CAGAAGCAGCATCAAGTGATACTGGTTTCAAAGTTGTTATGCGACCTTCACATGTGTACAGGAGATTCTTTCTG
TTTATCCCCACCCAATGGGTTACAAAAAATCTCTCCCTTCGTAACCAAGATATAATACTTCGTGTGCGGAAGTGA
TGAATGGCCAACCAAATTCAACTTTACCCCTAGTCGTCAATGTGGTGGCCTTACAAGTGGATGGAAACATTTTT
CAATCGACAACAATTTAGAAGAATTTGACGTCTGCGTCTTTGAGCCTGTCAATAAATCAAGTGGTCCTGTCGTC
CTGGAGGTCAAAATCTTCCGTGTCGTCGAAGATGTTATCCCTCTGACTCGTGTAGCATCAAAGAGCAACCGAA
AGCCAACCAAAGCACCTGAAGCTTAATTTGTGGCAAGTCCCAAAATATTTTAGTACCTAATGTTAAGACCCAA
GATTCTCTGTCTGTATAATATTGTGTAGGTAATAACCTGCTTTAACTTACGATGTTTTGTAGCTGGGACCTGTC
CTTTGCCAACATTTTTAGTTGATGCCATGCTAGTCCTGACTCCTGTTGTATGCACTAGTAGAATATCCAGTTTAT
GAGCTTTAGTTTCAAAAAA
```

>trans\_c\_4668 Novel Gene

ACAAAGCTTTCCAAGTGTGGAGACCGCGTGGAAAGGCCTTTCCGGGCATCTTTTTCCCGGAGTCGAGGCGTGT  
CGAAACAGATAAGCACCACAACAATCATCTTTCAGCTCCTTGAGTTTGATTACCTTCATTCTCGTGTGGGTTG  
TTGGCAAGTTTTGATTTTTGCTGACCGAGGAAATTGGATCATGCAACATGGTTCCTTGACAGCGTCCTTTCTTCT  
CCTCACAGGAGGTCCCCGTCATTCCGAAAGTCCTTTCCGAATGAGTTGGGCAGTTGGTCGACTCTCATGCAAC  
GACATCGCTTCCTCCTGACAGCACTTGTCTCTTGACTTTTCTTGCACAATTTACCTTTACTTTGCTGTACCTT  
AGGCTCTTCTCCTCTTGCTTTGGACTAACTGGGACTCAAAAAGCTCAGTGTCAACTGGAGCTTGCAAAGACTT  
CCATCGCTAAAGGGAAATTGAAAATTTCTTGATACTTTGGATTTTCGATCCAAAGCTCGTGTCTTTTGCTGTGG  
TTCTTAAAAATTTGGGTTGAATGCTTAAAAGAAATGAAATTAGTTAATCTGTGATACAAGGTTGTGTAGTAAG  
ATGTAAGCGAACTCTCTATACAAAATGTCCGAGAAGAAAAAAGGGAATTAATCAATCATCTTGTGTTTTGCAG  
ATCTAGACTATAATGTACATGCTCTTCAGTACATGAAAATTAAGTGTGTTGGTTGATATGTCTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4669 AF239781|Gunnera chilensis photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II  
CP43 protein (psbC) genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

GTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGCATTCCCGGCCACCAAGCGCCCAA  
TTGTTGGGAGTGGTCACGACCAGCTAAAGCTAAAGTTCCATTAAGAGCGTTCCACGGGGTAGAACCTCCTC  
AGGGAATATAAGGTTTTATGAGGCTGATCTTGAGCCGCCATCCAAGCACGAATACCTTCGTTTAAGAGAGCG  
CCCCAACGCGAGGGACTCTGGGCCTGAAGCTCCTTATCATGTAAGCCCTCTGAGAAACGAAGTCATAGGCAC  
GTAGGTTTCAGGGCCAGACCAACTACTCCAAGAGCACTCATCCATAAACCAGTTACTGGTACAAATAACATAAA  
GAAATGTAACCAACGTTTATTGGAAGCAACCCCAAGATTTGGGACCAAAAGCGTTAGCAGTGACCAT  
TGAATAAGTTTCTCAGCTTGAGTTGGGTTAAAGCACGGAATGTATTTGCACCATCCCCATCCTCAAATAAGG  
TATTTTCTACGGTAGCACCATGAATAGCGCATAGCAGAGCAGCGCCAATACACCCGCAACTCCCATCATATG  
AAATGGGTTCAATGTCCAATTATGAAACCTTGGAAAAATAGGATGAATCGAAATATATAGTATACACAAAA  
CTAGGCGCAAAGAACCAACCAGACTGACCTAGTGGATAAATCAGGAATACAGAAACAAAAACAGCAATTGGG  
CCCGTGGACAAGTCCATCGACTACGCCTTT

>trans\_c\_4670 BT015667|Arabidopsis thaliana At4g02725 gene, complete cds

GCAACTTCGGCGTCTCAGCTCCATGTCTCCATAGTCCATAATCACCACACTACTTGAAAGTTGTAATACAAAA  
CCCAATTCTATGGGAGCCCTTTCTCTACTCCTCGCACTTCTCTACCATCCTACCATTTTCTTCTTCAACAAAA  
CCCTTCTTTCTAACTTCGCTGCTTCTTCTCAACTCCTTTCTTTTACTCCCAAATGCACAAAATTCGACCAAACT  
TTGGTTTTCGGGAAGCAATCACGCATCGATAACGATCCTCAGTTTCTAGATGAAAATGGGGCCGTCGATGATA  
TGGATGGATACTTGAATTACCACTCTTTCGAATATGACTCCGTCTGGGATACAAAGCCTTCTTGGTGTCAACCA  
TGGACTATAAACTGACAGGATTACTAGTGATTGCCTCTAGCTGGGTTGCTATAAAGTCGGTAGCAGTGACCG  
CAGTCATACTCACATTAATATGCTTATGGTGGTACATCTTCTCTACTCATATCCAAAGGCTTATTCTGAGATGA  
TTGCTGAACGAAGAAGAAAGGTTAGTGATGGACTAGAAGACACATTTGGTGTCAAAGGACACAATGATTAG  
TTTAGAGGAAGAGTACACATGTATTTACCAACTTTTGCTGATATCTATCTAAATTTCTATTGCTGATATTATCACC  
GATACACGGATTATTTTAGTGATATCATTCGTAAATGATAAAGAAACAGGATTAGTTCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4671 NM\_123380|Arabidopsis thaliana EMB506 (embryo defective 506); protein binding  
(EMB506) mRNA, complete cds

AAAAAGAAAAAAGAAAACCGGTAATCCAGCGCTCTTCCGGTATCAATATCTTATTGGGAAGGAAGATGCTAC  
TTGGCGCTACTCGACTTTGGGTTTTGATTATTCTGTATAAGCGCCAAAATTTATTCTTGTTAGTTGGAGATT  
TTCAAAGACTTCAACTTTCTCTCTCCCTGATTTAGTTGATACCATATAAAGAAAGGGATAATGTCGTGG

GCTATGTCAACTTTTGCTCCCTTTGAAGTTCCTCCTGTTTATGTTGTTGCTACTGCTTCTAGTCCATTGTTGGGTT  
GCACCATCAACTGCTTAGATATAGTTGGTCCTAGAAGACCAAAGCTCCAGTTATCTCTTTCAAAGAAGTGGTTA  
AGGATGAGAACTTTTGTACAGAGTCAAACCAAGTGTCTTTTTTGAATCACGTCAAGAACTTGGGAAGAT  
CCTGATGATGGAAGCGGCAGTGAGTTTGATGAGGAAGATAGTGAGGAAGTGGATGAGTATGACCTGGATTT  
TGAAAGTGATTGGGAAGGAGAAGAAAATGTTCAAGGCTGTCTCGATTATTGATCAGCCTGCTGCAAACAAGTA  
TGAGGAGGATCTTCAGGAAGAGGTTGAACAACTTTTGAACCCAAAGAACGAGCAATTCTGCAACAGAATGC  
AACTCTGAATGTGGATAAACTGTCAACTCCGAAATGGAATCCACTTCACACTTTTCGCCTTATCAGGACAGATTA  
TTCCAATGGACAAACTACTTGACAG

>trans\_c\_4672 AY742294|Malus x domestica zinc finger protein-like mRNA, complete sequence

ATTCTTAAGATTCTTCTTCCCTTTTCTTCTCCATTCCCTTCCCCAAACACAAAAAACGAAACCCCCCCCCCTCA  
ATCCCCTTCGTTCTTCAGGGTTTTAGATCTGTACAAACAAACAACATCATCGCAATACTGTGCGATCCCTTCTCG  
CAGAGCTAGAGATAACTCTTCGTTGTGAATCTAAAAACGCGAGGTTGTGAAGAAGAAAGACATGGCGGAAGA  
GCACAGATGCCAAGCACCTGAAGGTCACCGGCTCTGCGCCAATAACTGTGGATGCTTTGGTAGCCAGCTACC  
ATGGATCTCTGCTCCAAATGTTATAGAGATTTCCGTCTTAAAGAACAAGAACAAGCCTCCACAAAGTCCACCAT  
CCAAGCCGCTCTCTCGGCCTCATCATCTCCTTCTCCTTCTTCCCCAATCGATCCTCCCCCTGTTCTCCTGTTG  
TCGCCTTGTCCCTGCCGGACACCACCACAGATCTGACCATCCCTCCCCTTGCGGCGGTGCGATCTGATGTCACA  
AACCCCAGCCCGAGCCCGAGCCCGAACC GTTGTTCATCGTGCCGTAAGAAGGTGGGTTTGACCGGGTTCAAA  
TGCAGATGTGGAACACGTTCTGTGGGGCTCATAGGTACCCGGAGAAACACGGCTGCACCTTCGACTTCAAGT  
CAATCGGAAGAGAGGAGATTGCTCGAGCAAACCCGTCGTCAAAGCCGACAACTAGAGAGGATTTGAACG  
AATTCTTAGGCCCTTATGACTA

>trans\_c\_4673 NM\_001053225|Oryza sativa Japonica Group Os02g0321900 (Os02g0321900)  
mRNA, complete cds

TTTCGTTTTCTTCTTCTCGGACTGAAGGGTATACTGTCTTTGCGAAGGCGAAGATTCGAAAATGAGTAAGCTT  
CAGAGTGATGCACTGAGAGAAGCTATCTCATCTATTTTCACTGATAGCAATGAGAAAAAGAGAAAGTTTACTG  
AGACCATTGAGCTTCAGATCGGACTGAAGAACTATGATCCTCAGAAGGACAAGCGTTTCAGTGTTCTGTGAA  
GTTGCCACATATTCCCCGTCCCAAGATGAAGATATGCATGCTTGGGGATGCCTCACACATTGAAGAGGCTGAG  
AAGATTGGTCTAGAATATATGGATGTGGAAGGCTTGA AAAAGCTAAATAAGAACAAGAAATTGGTGAAGAAA  
CTTGCCAAAAAATACCATGCCTTTTTGGCATCAGAATCTATAATCAAGCAGATTCTCTGCTTCTAGGCCCGG  
TCTCAACAAAGCAGGAAAGTTCCCAACATTGGTGACACACCAAGAAACGCTTGAATCTAAAGTTAATGAGACC  
AAGGCGATGGTCAAGTTTCACTGAAGAAGGTCCTTTGTATGGGAGTCGCTGTTGGAAACGTTTCCATGGATG  
AGAAGCAAGTCTTCAAATGTTCAAATGAGCGTCAATTTCTTGGTTTCTTGTGAAAAAGAACTGGCAGAAT  
GTTAGGTGCCTGTACCTGAAAAGCACAATGGGGAAGTCATATCGGGTTTTCTAAGCACTGTTAGCAATGTAGT  
CAGTCTTGTGTNGTCGATCTTTTTAT

>trans\_c\_4674 AF198964|Arabidopsis thaliana ATP sulfurylase gene, complete cds

CAATGCATTATGCGAGTCCAACTGAGGTCCAGTGGCACGCAAAGGCAAGAATCAATGCAGGGGCTAACTTTT  
ACATTGTCGGTCGTGATCCGGCAGGCATGGGCCATCCAATTGAGAAAAGGGATTTGTATGATGCTGACCATG  
GGAAGAAAGTATTGAGCATGGCACCCGGTTTAGAGCGATTAAACATCCTTCCTTTCAAGGTTGCTGCATACGA  
CAAACTCAAGGAAAAATGGCCTTTTTTGTATCCCTCAAGACCTCAGGATTTCTTTTCATATCAGGCACCAAG  
ATGCGAAAATCTCGCAAGGAATAAGGAGAATCCACCAGATGGATTTATGTGTCCAGGTGGCTGGAACGTATTG  
GTAGAATACTACAAAAGTTTAGTTCCAGCAGACAATGGGAGGATCCCAAAGCCAGAAGCTGTAGCAGCTTAA  
ATTAAATCTTATATACATTATAGTACATCAAATGGATTGCAATAAAACACTTTATCTTGTGTTGTAATATAAAT



TTGGCATTCCGTCAGGTGTCTCGAGCTGAATAAAGTCATTTGAGGCAGTGGCCTACCCCTATAACATATGTGC  
ATATGGGGAAGTTGTAACATATAAGAAGTTTGATGCATTTCTTTGAAGTTGGTTAGTGGATTTTCATTTTTATG  
TAATATATGTATGGTTATATCTCTGTCTATTATATAAGTTTGTTTAATGAAGTGAATCATTAGCTTGGTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4675 XM\_002882205|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GAGCTAGGGTTTCTCCCCCCCCAATCCTCTCTGTCTATCATCAATTTCCCCCTCCAATTCCTCTCCTATCTCAATC  
AACAAATTCAAAAACAAAAACCCCATCGATTTCTTCGTTTCTTCTGTGACTCCAAAAACAAGCAACCATCAA  
TCAACCATGACGGGTAAAGGCGAAGCCCAAGAAGCATACCGCGAAGGAGATCGCAGCTAAGATCGACGCAGC  
CACCCTAACAGAGGCGGCGGAAAGGCTGGCCTCGCCGACCGGTCTGGCCATGAGAAAGGCGGCCACGCCA  
AGTTTGAATGCCCGCACTGCAAGATTACGGCTCCTGATGTCAAGTCTATGCAGATTCATCACGAGTCCAAGCA  
TCCCAAATCCCTTTTGAGGAGGACAAGGTTACAAATCTCCACGCTGTTCTGTGTTACTGCCGAGGCGTCGAAG  
ACAAACCGGGTGTGAGAGGCAGCTACAAAAGTGAATATAATCCGGATTCATGAGGATGGATGGTGGGTG  
GGCTCAATTTTATGGTATTGGGTACTTCTGTTTTGTCTTTTTTAAAAAATCTTGGTCCTATGTCTTCTCTCTG  
GTGCTGATGGAAAGTGGTTTTAACTTGTAAGGTGTTTGAGTAAACATATTCGATGTCCTTGGAGCTGAGGTC  
TTTGCAATTATGTATATTACATAAAAACATGATCATTGTTGTTATGGTAACCATGGAGGTGTTTCATGTTCTCGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4676 HM122498|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L24)  
mRNA, complete cds

TGACGCCTGGCGGCGCGTTATTATATAATAATCGCCCAATTGAGTTAGTTATGTTTCCTGCTACATTGAATAAG  
CCCACCCCAACTCCAATCACATGTAGGGTTTGGGGCTTGTCATGATGGGAATTCTGTTTCCAATTGCATAAT  
TCAAGCATTGTGAGTGCAAAGAATCTTCCAATTGGAAAAAAGAAAGAATTAATTGAATTTTCTGTGATA  
CAAAGTTCCAAACCGAACCATGTCTTTGTCTTCACACCCTCTTTTCTATATCCCAAAAATCACCTAACTAATTTT  
ATAAAAATAAAAATTCAACTAAATTATGAATTTTGATTCAACCCCTTTTTCCAATCCGGGAAAGAATCGTTCTA  
ATTACGCGAGATCTCCGTTCCGGTAGCCAGAGGAACCGAGGCTTCTTCGTCGGCAAAGGGCTTCCACCTCC  
TCATCACCGGGGAAGAAGAGCTTTGGCGACAGAGGGGCGACGCCGGGATGTTACAGGTCAAAGTTTCGGTG  
GCTATGACTAACTGTGTGGGTGGAACCTACTCCCTCCGACGATGTCAACGTCATCCCGCTGTAGCTCTGGTGAT  
TCACGGCAGCGCTAGCACCGCCATCGTAGTGGCGGCGCTTGTTGGCCACCCAAGGCCTGGCCAGTGGGGAACG  
ACTTGTGACAAACATTACAGACATGAGCTTTTCCACTGGAGTTAGACGTGGTACCGGAGAGCGACGTGGACT  
GATCGTCGGCGGTGGTGGGTTTCC

>trans\_c\_4677 U96439|Pimpinella brachycarpa aminoalcoholphosphotransferase mRNA, complete  
cds

ACTTGCTTTTGGATTCTTAGTGGGTAGAATGATTTTAGCTCATCTCTGTGATGAACCCAAGGGGTGAAAAC TG  
GAATGTGCATGTCATTACTATTTCTTCCACTTGCCATTGCAAACGCTCTCACAGCAAGGCTCAACGACGGGGTA  
CCATTAGTGGATGAAAGTCTGGTTGTTCTTGGTTATTGTCTTTTACTGGTGCTCTGTATTTGCACTTTGCGACT  
TCAGTCATTCATGAGATTACCACTGCCTTGGGAATCTATTGCTTCAGGATAACAAGGAAAGAAGCTTAAAGTT  
GGCTGCAGTTTTCTTTACTCCAATGGAAGTTGAATGATGCAGCTGCTACAAGCATTCTCAATATGACGACAA  
TTCTGCATTATTGGGATTTTGATTGAAATCATTTTTGGATGAAATTGATGAGGATAGTTTTGAATCCAGTGATT  
GTTATTCAATTCATCCATACTTCAATTGATGACTTATAAGATCAGTATAGGGTTATCTTAGGTGATTGTGACAT  
TCTGAATCTTAACTCTAGAAAGAGAACTTAAAAAATGTAGTAGTATTTGATTCTTATTGTATCATTTATTATTA  
CCTGTGTATTACCGTGCAATACACATGTATTTAGGACTTACGATACTTGAATTATATTTAAATTCAAGTGATT

GGTGAAATATTTGAAGTATAATTAATTTTGAATAAATTGGGATACAATTTTATACTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4678 Novel Gene

TTCTTTTCCCTCTGCATACGCACTAGTGTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTGGTTTTTGTGTTGAATTACACC  
AATCCAGAGATTCAAACACAATCACTAAAACATGCTTCTGGTTTGGATTATAAAGCTGAGTAGTTCGATGAAT  
ATAGTCGCGATTGAATCCTTCCTATTTCTTTTAATTTCTTTGATTGATTCTGGTTTCTGCAGCTCTGAATTT  
CGATTATATTGGGAACTTTCATTTTAGTCGTTTCGCAGAACTTCTCCCTTGTGGATCATATTCTTCGGTGATCT  
CGTCGCATCTTCGTCGTCCAACGCCCAACCGCTGTTGTGATTTTCGCCGTTAGAGTGTGCGATTCTCTAAATGG  
ATCAAGAGGCTGCACGAACTGCTCGGGAATCGCTAGATCTCGCATTTTCATATGTCTAATGTACTTGACTCCGG  
GATCGATCGCCACACTCTCTCTGTCCTCATTGCTCTCTGTGACATGGGTGTGAACCCTGAAGCTCTGGCTGCTG  
TTGTCAAGGAACTACGGCGGGAGCCACCCTCATCAGAGACCAACGTATCCAGTAACAAGTCATAAGTTCCCCA  
AGCAAAGAAACAACCTCTGTTCTTCTGATGAAGGTTGAAATACAAATGTGTTCTTTAACCATGTTCTATATGTA  
GCTTACTTGGATGGCATCTTGTGATAGATGGCTTGGTGTGTTAGAATGTTTTAGCATTACAATCTTGTGTTCA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4679 XM\_002314022|Populus trichocarpa silencing group B protein (SGB901), mRNA

ATCGTCGATATTCAATCTCCACCGTTCCATCTTCAACCCTAACCTAATTTCTCTCCGATCACCGTTCTCAGCCA  
TGGTCTGCATACGCAAAGCAACCATTAACGACCTTCTAGCCATGCAAGCCTGCAATCTTTTTGCCTCCCGGAG  
AATTACCAGATGAAATACTATTCTACCACATTCTTCTTGGCCTCACTACTTTACGTCGCCGAAGATTACAAC  
GGCCAGATCGTCGGCTACGTTTTGGCTAAAATGGAGGAAGAAAGCAACGAGTGTGATGGTCATATTACCTCCC  
TTGCTGTGCTTCGTACTCATAGGAAGCTCGGTTTAGCTACTAAGCTCATGAATGCGGCTCAGAACGCCATGGA  
ACAGGTTTATGGAGCGGAATATGTCTCCCTTCATGTGAGGAAAAGTAACAGGGCTGCTTCAAGTTGTATACC  
GAGACTTTGGGGTATAAGATCCATGATATTGAAGCGAAGTATTATGCCGATGGCGAAGATGCTTATGATATG  
AGGAAGCAGCTTAAAGGGGAAGCAAATCCATGGGACTGGACATCACCATCACCACCACCACCATCACCATC  
ATCACCACCATGGGCATGGGCACGGGCATCAGCATGGTGGTGGGTGTTGTTCTGGTGGTGATACTGGGAATG  
TTACTGAGGCAAAAGCAGAGTCTAAGGGAAATGCATCGAAAGTGGACTCCTCAAAGCTTAATGAAAAAGCTG  
GATGAGGTAGTATGGTGTGATAAT

>trans\_c\_4680 AF289255|Lycopersicon esculentum nuclear matrix protein 1 (NMP1) mRNA,  
complete cds

ATAGACGAACAAACGAAGAAGAAGATGGCAGCCAGGCAAATGGAAGAGATTCAAAGGAAGCTATCATTGCT  
CAATTACCCAGAGCCAATGCTCCTGCTCAGTCCCTCCTTTGCCGGCATGGAACGCTATGCCCTTCTTGAGT  
GGCTCTTCTCCGTTTGTGGGTGATAAGTCGCCGTTCTCCCAACAAAATATCCAAGGAGATGCTATTGATCGC  
GATGAAGAAACTGGTCGCATTAGTATCTGACAGAAATTGCAAAGTTTCTGGGTATTACAACCACTATTGATA  
CTGAAGTTATCCAAGGACGAGGAAGCTACGAGGAGCGAACTGAAATGATTGCTTATTGTGATCTTGTGTA  
GGCAAGCATCTATGCAGATAATCCAGATTGGAGTGTTGATGAGCAGGTAGCCAAAGACATACAACCTCATCGA  
CTCTATTGCAGAGAAACAGGCTCAAATATTCTCAGAAGAATGCAAATTGTTTCTGCCGATGTTCAAATTCACT  
CTATATATCCATTGCCAGATGTTTCTGAGCTGGAACTAAGCTCGCAGAACAATCCAAGATACTTTTGAATCTT  
CAACAGAAAGTTGATGATTTAGCATCAAAGCATGCTTACAACCCAGATGAAGAGTATACGGAGGTAGAATCTC  
AACTGCGGGCACACTTGGAATCTTTCTTGAAACAGCAAGATCTTTTAACATTATTTACACCAAGGAAATCCGT  
CCTTGGACACACATGATGGAAGTTC

>trans\_c\_4681 Novel Gene

ATTAACTCGAATCCAAAACAGTGGAAGCGATGCTGTCTATTGGGAAACCACAATCAATTCATTCCTTGATGAT  
TACCGACCAGTAGAGGGTATTATGATTGCTCACTCCGGTCGATCTGTAGTAACGCTTTTCAGATTTGGGGAAA  
CAGCCATGAGCCACACAAAAACCAGGATGGAAGAAGCTTGGACAATTGAGGAAGTAGCCTTTAATGTCCCTG  
GTCTGTCCATTGATTGTTTCATTCCCCCTGCTGAACTTAGATATGCTTCCATGAGCGAAGCCTGCGATTTCTCCC  
GAGGACAAGGGTTGAAAAACGTCATGGCAGCAGCAGCGTATCGTGCCAAGGTCGCAGCACTAGAGAAGAAT  
CACGACAACAAGGTCAAAGTTATCTGGAAACCAGATATCTGAACCAGCAGTCAACAACAACCTCCTAGCAAGCA  
AGCAAGCAAATGCTTTGCAAAGCAAAGTAAGTGACAACACTAACTATTTAGAAGAGGATCCAAATCCAAGGT  
AGCAGAACTTGTTGCTATTTTACGCGGCAAATTGTAATAGATCAATAGTCATTCTCACACATTTTATTCCGT  
GATCGAGCGACTCGCTCTCCTGAATCTTGGCTCTTATATTTAGCCTTTCTTGTCTCAAATCCAACAGAAAA  
TCTCTTTTCAATCGAATCACCATTGTTTTCTCTTGAATGTGAGGAGTATTAGTAAATGTAAATGGTCCTTTG  
CTCTGTTTTCTTAAGGGATTGT

>trans\_c\_4682 U17111|*Solanum tuberosum* (sts14) gene, complete cds

AACACAACCATTTTTCACTCTCCTCACGAGACTCAAAGTTCAAACCTTTGCAAAAATCCTCAAGAAAACTCAAA  
CCCCATCGGAAATGGCCATTAATCAAGTTGTCCTACAACCTTAGCCTTATCACTTCTAGTCCTAATACTCATAG  
TCCAGAGTTCTGCGGCGACGCCACCACCAACGGCAGCTCTATCGCCAGCAGCAAGTGAGTACTTAGAAGCCC  
ACAACAGAGCAAGAGCAGAGGTGGGTGTGGAGCCTCTGCAATGGAGTCAAAATCTGGCGAATCTTACAGATC  
GACTGGCTCGATTCCAACGCAACCAAAAGGGGTGTGGGTTCGCGGAGCTGAGCGGCAGTCGGTACGGAGGA  
AATCAGATGTGGGTGAGTGACGTGTACTGACGCCGCGGAGGCGGTGGAGGAGTGGGTAAAGAGAAGG  
CGTTTTACAATCATACGAGTAATACGTGTGTTGGGGATCACCATTGTGGAGTTTATACTCAGGTGGTGTGGCG  
GAAGTCGAAGGAGGTGGGTGTGGTCAGGCTACTTGCCGGAAGAAGGGATTAGTTTGACCATTTGTTTCTA  
TAACCCACCCGGCAATGTCATCGGTGAAAGTCCTTTTTAGATAAAGAGGTTTCTTCTTTTCTTTTCTAAGAAA  
AAAAAATGTCAAAGGTAAGATAATGCAATGTGACGTTGTTTAATAAATGCCTTTGTTGTGTGGGAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4683 NM\_001053989|*Oryza sativa* Japonica Group Os02g0620400 (Os02g0620400)  
mRNA, complete cds

ATAGTATTGAGATTCCTTTCTTTTCCCACTTTCTCTCTCTCTCTCTAAATCCCCCACAACCTCAACCCTCTCT  
CTTTTCCCCTTAACCTTTTTGTAAGGCAAAGAAAATAAGGTATCCATTGTTGGAAGAAACCTTCTGAAGCCC  
TCTTTAACATGGCAAACGAAGAAGGAGGCAACAACAACCAACAATCCCTCAACAAACAACAGTCTCAA  
AATCATTGTAGAAAGAAACCTTCTCAAGCCAAGCTTTCACAACCTCAACATCCATCGTTGGCCAAAATGGGGTT  
GTTCTGCTGGAAAATATCAGTTGAAATTTGAGGCAGAAGAGACTTGTTATCTAGTGAAAGGGAAAGTGAAAG  
CTTATCCTAAAGGAATTGATTCTTCTTCTTCATCGTCATCATCTTGTTGTGAAGAATATATTGAATTTGGAGCTG  
GGGATTTGGTCATTATTCTAAAGGACTTAGTTGCACTTGGGATGTCTCTGTTGCTGTTGATAAATTCTATAAG  
TTTGAATCTCAATCTTAAATTTAATTTAATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATATGAATCT  
CAACGAAGTACATAGTTCACCTTTAACTACCGATACTATTCGAGAAATCTTAGTACATAGTTCATGTTTTGTT  
CGTTAGGAAATAATATAATTGTTCAACTCATAATTTAACACCATCTATATCAATTTTACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4684 AY173936|*Cucumis sativus* ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

GACCAGATAAAACAAAGCATTGCGATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTAAATACGTTGGCCTAGCAGAAACA  
ATTAGAGGGTTTAAATTAATCCTTTCCGGAGAATTAGATGGTCTTCCCGAACAAGCCTTTTATTTGGTAGGTAA  
CATCGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAACTTAGAAATGGAGAGCAAATTGAAGAAATGACCTTAAATCTT

AGTGTCTGACTCCGAATCGAATTATTTGGGATTGAGAAGTGAAAGAAATCATTTTAGTTACGAATAGTGGCC  
AAATTGGTGTATTACCAGATCACGCACCTATTGCCACAGCTGTAGATATAGTGCGGGTGCCCATACGTTCCGTC  
TTCAATGATGGATGGTTAACGATGGCTCTGATGGGTGGTTTTGCTAGAAATAGGCAATAATGAGGTCACATTTT  
TAGTAAATGATGCGGAGAAGGCTAGTGACATTGATCCACAAGAAGCTCAGCAAACCTCTCGAAATAGCGGAAG  
CCAACCTGAGGAAAGCTCAGGGCAAGAGACAAACAATCGAGGCAAAAAATCGAGAGAGACGAGCTAGGACA  
CGAGTAGAGGCTATCAATGGCGTACCTAGTTAATGCGTCTATATATATTTATGAATACTTATTTTCATGGAAAA  
AAGAATTACAATTAATAAATGAAATAAATATAGAGTCGGATGGAAAAGATAGAAAATCACTAGAACAAAGTT  
GAGTAGAAAACTTATTTCTGGGCCCCAGCT

>trans\_c\_4685 AY124870|Arabidopsis thaliana AT4g01050/F2N1\_31 mRNA, complete cds

AAAACAGCCAAATTTGGCCTAAACCCTTTACTTGTTATGGTTGTTGAAGCTCTTTAATCAATTTTCTGAGCTTCA  
GAAAGTTGCCATGGAGGCCCTCAATGCAGCAAGTTTAAGCCCCTTGGCTGTTCTTTCCGACAGAAAAAGAGAA  
CCCAAAAAATCTCCCCAATCCCATCTTCTTCTCTCTCAAGCTCCCAATTTTGGTAGTTTAAACACAAATTTAT  
CAGTCCCACAAGGGTTTTGCTTATCAAGAAGCTTACAAGGAAGTTTACTTTTGTATCTTCAGCATTCAATGCT  
GGGGTTTCTGGAGCTCTTACTTATGATGAGGCTCTCCAACAATCTATGACCACTTCTTCATCTGGGGATTTAGA  
TTTAAATGGGATTCTTGATGGGATTGTAAATTTGGAACAGAGAATCCTGGAATTGTTGTTGGCGGTGTTTCTA  
TTTTGGCTCTCCCTTGATTTTCTCTTTTTCAAGGAAAATCTAAACCATGGGGTGTGAATCTGCTAAAAGTG  
CTTATGCGAAATTGAGTGAGGATTCTAATGCTCAGCTACTTGATATTAGATCGCCAGTTGAAATAAGGAAAGT  
TGGTGCTCCTGATCTTAAGGGTTTGGGTAAAAACCTGTGTCCATTGCTTACAAAGGTGAAGATAAGCCAGGT  
TTCTTAAAGAAGCTTGGTTTAAAGTTCAAGGAGCCACAAAATACCACTTTGTTCAATTTTAGACAAATATGATGG  
GAGCTCTGAACTCGTT

>trans\_c\_4686 XM\_002319233|Populus trichocarpa histone 2 (HTA903), mRNA

TGATTATATATTACTCTCTCCCGCCCTCGCCGAAAAATCGCCAATATCTCCTTCCCTTCCCTTTTTCTCCCTTC  
CATCTTAACAGATCTCAATTAATGGCCGGTAGAGGTAAAACCTGGGATCCGGAGCCGCCAAGAAGGCCACC  
TCCAGGAGTAGTAAAGCCGGCCTCCAGTTTCCCGTCGGTCGTATTGCTCGTTTCTTAAGGCCGGCAAGTACG  
CTGAGCGTGTGGTGCCGGTGCTCCTGTCTATCTTGCTGCTGTTCTTGAATACCTTGCTGCTGAGGTTTTGGAA  
CTCGCTGGAAACGCTGCTAGGGACAACAAGAAGACGCGTATTGTTCTCGTCATATTCAGCTTGCTGTACGTA  
ACGATGAGGAACTCAGTAAGCTTTTGGGAGACGTGACTATTGCTAACGGTGGGGTTATGCCCAACATTCACAA  
TCTGCTTCTGCCAAGAAAACAGGGACTTCATCGAAGAACGCTGGTGGTGACGATGAACCCTAGTTCTGTTTG  
TAATAGCACCAAATGAACTGAATCTTTGAAATGTTTATGAAATGTGGCTCTGGTCAAGATAGTGTTCCTCCT  
TGCTTTGACATCTATTATTTGTTAGGTTACGAATCTTTGCTTATGGAATTTGTAATAGTTTCGAGGAGTAGTGCT  
AGAATTTACCTAGTGTTGTGAATATCATCACCATCATCTATTAATATCACCTCCTACTTGTTTTTCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4687 NM\_001059415|Oryza sativa Japonica Group Os04g0442100 (Os04g0442100)  
mRNA, complete cds

AGGGAGATCTTTCTCGTTTGCTCCCATTCCTTCGGCCGATTCTCCGACTTTACCGGGAAAATGTGGTGCAAAAA  
AGACAACATTAGGAAATTTAGTGCAAAAAAGACGATACTTGGTGCTTCTAACATTCAAAGTGGCAAGAAGAT  
GGTTGAAGAAACCAATGATGTTTTATCCCTTTGGAAGCTTAAAGAGCTTCATCCCTGGGCTGATATTAGCTTGA  
TTATGGATATAATGGAAGCTGTAAATAATGACTTCAATGAGGCATCTACTTTATTAACACAATGGTCTCTAGT  
GACAATTTAGAGATCAATAATGAGATGAGCAACTTAGGACTGCATTCTCTAATGATCTATCGTGGATGATGG  
GTAAATCTCCTGGCTGGGAAGAGTTTAACCTTCAGCAACATAATAGAGGCCTTCAAGGTGAAAAGGACCCGG  
AAGCATTCCCACCAATGCTAACCAACCATCCCTCTCTGCCACCATATGAAAACCTGCACGGAGTTTATGGACGT

TTAGGGAGACCCTTTGCATCTGAACCCCTTCCTTCTGCCGATTCTCTGACTTCTCCAGGAAATTATGGTGCAAA  
GAACACAATTCTGATGATTCTGGCATTCAAAGTGGCAAGAAGGTGGTTGAAGAGAACACTGATGTCTTAGCC  
TTTTGGAAGCTTAAAGAGATTCACTTCTGGGCTGACTTTAGCTTGATTGTGGATATAATGGACGCTGTGAATAA  
TAACTTCGATGAGGCATCTACT

>trans\_c\_4688 DQ444293|Camellia sinensis cyclin-dependent kinases regulatory subunit mRNA,  
complete cds

AGAGCCCTAGTTGAGCCTTCAGTTCACTGTTCTGACGTTGCTTCATTTCCGCGATCAAAACCATTGAATCCGCTT  
CGTTGTATTGTAATTCTCTCTGGAAGACGAAGATCACTCAGTGATAGATGGGTCAGATTCACTACTCTGAGAA  
GTACTTCGACGACATTTATGAGTACAGGCACGTGGTTCTCCACCCGAAGTCGCAAAGTTGCTTCCTAAGAATC  
GTCTGCTCTCGGAAAATGAATGGCGTGCAATTGGAGTTCAGCAGAGTCGTGGGTGGGTGCACTATGCTATTC  
ATCGTCCCGAACCGCATATCATGCTATTAGGAGGCCCCCTGAACTACCAACAGCAGCAGGAGAATCGCACTCA  
ACAAAATGCGCTTGCTGCTAAATGATTGCTTCGTTAAATGCGCTTGCTGCTAAATGATTGCTTCGTTTTACTGAT  
TTTGTGAAGTGCTACTATCCAGAAAGAAAGGAGTTAATATTAGTCATAAGCATATAATGGTGTTAAAATGAA  
ATATCCTGGTGTCTGTGGTCAATTCTCTTGCTTAGAAAATCGGCAGGAGTTTCTATGTTTACTTGAAGTCTGTAT  
GTTTGTAGAGGAGGCTTATATATATGCATACGCCCTGTATCTTTGCTGGACACTGCAATTTCTGAATTTAGAA  
GCAAACATGGGTTTTATGGATCTTGATCCTTAACTTTCTGTGCAGAGGTGAATTGTTTTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4689 AY143972|Arabidopsis thaliana At5g03040/F15A17\_70 mRNA, complete cds

CAAATACCTTCGTTGCATGCAGACTTTGGCTCGTGTTCAATCTCAGATCCATTTTAGGAGGGTTAGGATGTTG  
GAGGAGAATCAGGCTCTCCAGAAACAACCTCTTCAAAAGCATGCAAAGACCTTGAGAGCTTGC GGATTGGA  
GAGGAATGGGATGACAGTTTACAATCAAAGGAGCAGATTGAAGCCAGCCTACTGAGCAAATATGAGGCTTGC  
AATGAGGAGGGAGAGAGCTCTTGATATTCCTTCACTCATCAGCAAACCTGGAAGAATGCTGCAAGGTCTGTC  
AACCCAGCCTTCATGGATCCAAGTAACCCACCTGGGGTTGGAGCTGGTTCGGAGCGATGGAGTGGGGCTCGA  
GTGCATGATGTTCTGATCCAATAGGAAAAGAGTCAAACAACAGTCATTCTGGTAAGAAGATGGCAAGTCGT  
GGCGTTGTCGGCGGCGAAATCAGCAAATCATTTGCCCGCTTTCAGTTTGAAGTCAAGAGATGGATTCCCCAAC  
AGGCAGTCAAAGACAACCTATTCTGCTTTCCAGCCCTCCTCAACTCCTTCCAAGCCAGCTCCATCTTCTGCTAT  
AAAAAACTGAAGCCCCCAAGCCCAAGAATCCTCTCCCTTCATGATGATGACTCGAAAAGTATCGTCAGCTTG  
CAGTCTGAAAGATCACGAAGGCATAGCACAGGAGGACCTTCCGTGAGGGACGACGATAACATGTCTACAGCT  
AGTGCTGTTCTGATGTTATATGACGCCTAC

>trans\_c\_4690 BT012379|Arabidopsis thaliana At5g18850 mRNA, complete cds

CTCTTCTTCTGCCTGATCTAACCATTTCAACTCCATCGCGGGAATCTCTGAGCTCTCTCTTTCTCTCTCTCT  
CTCTTCCAGACATAGCCACCGGAAACAATGGCGTCGTCGACGGCTAAGATTACGTTTCGTGTTATCATGGTGG  
TGATCCTCCTCCTCGTCTTGTTCTATGTCGGTCGTCCTCTGTACTGGAAGATTTCCGCTACTGTACATGATATTC  
GTCAGAACAAACAGACCGTCAAAGAAGGCCTCTCTCAGATCGTTCTGGAAGCTCAGAAATCGGTGGGATGGT  
ACCATGATGAGTCGGACTCGGGCGTCCAAGATGGAAATGATGGAAAGAAAGCCGGATCGGTTGCTATTCGG  
AGGCTGCTTCATCAGGTTTTGTGAAAATCTCAGTTATTTGAATTGTGATTAGTCCTGGAGAATTGAATGGTTTG  
ATATGCATTAGTAAAGTTCAATTAGCAGATCTGGATTTTTTTTGGCCTTAATAACGTGCTATAATGACTGAATTA  
GCACCTGAATCTACTAGTTAAAGAAAGCAAAGAAGATAAAGAAATCGTAATGCTTCGGCGTTTCAGTCTTC  
ACTGTTTCCTTATGCATTGTTAGTCACTCGAATGTGTGGATAGTGATATTTGTACCTTAGATGTAGTGACCTAC  
TGCTTACGAAAACCTATTTTGACACAAAAAAAAAAAAAAAAACAAGAAGATGTTGTTAGTCTGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4691 NM\_001066589|Oryza sativa Japonica Group Os07g0571900 (Os07g0571900)  
mRNA, complete cds

AAATTACTTATCATACAGACATAAAGAATGCAGCGAGGAGATGATCTTCTTACCAGGTCTTCGGGATGGGCAT  
GATTCGAAGCACTTCGTGCGAGACACCCTGATTGATTCCCCCAAAGCTCTTCAGATAGCATGGACTGCATCATT  
ACCGTTTGCAAAGCTGTAGACAAAACATCGCTGGCTAGCAAGTGTTTACGTCGACAGACTTCAATCTCAAAC  
AGTAATCCAAAATCAACTCAATGATTACCAAATATGCTGAAGAAGTTTATATATTACATATATGAAGACGGTA  
AAGAAGACGAGCCAAGAGAGGATACTCTAAATTCCTAGCTATCTTCCGGGGCAGGCATGATTCGTAGCCTTTC  
ATCAGAACCCAGCTTGCCTCCTCCAGAACTCTCTTCTGCTAGCAGAGATTGCAGGTCACTACCGTTTGCCA  
AGCTGTTAAATTCTACTGCCTTGGATGGCATCGTTGGATAGCGCCGTTGACAGAACGTCATCAATCTCTTGATT  
GATTGCAGGTATTTCTTGTTGTTTCATCATTGATATGAGCCACACTGTTGGTGTAATCTTTTACGAGCT  
GAACGTTTCGTGAATACCAACCATAGTGACACCAATAGGCCATGGGGCATTTCCAATGGCCATCTTAATGTATT  
GATCCATGGCAGCTAGATAGTCTCGCTTCATGCAGCATTCAACAACCTACCAACAATGCTTGCCGAATATCATCG  
GGGAAGAACCCTAAAAAAA

>trans\_c\_4692 Novel Gene

TGCAAGGAAACCATCTGCAAATTTTGTGTATAACTGTGCTGTGATGGGATGCTGAACTTAAAAGAAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAAGAAAAAACCAAGTGTGTGCTATGCTCTCCATTGATGGTGGTCTC  
ACACTTCCAATTCCAAGATGAATTGCTGAAGATGGGTTGTTTTCTTCTTCTTCTACACATGATTTTAGCTGA  
TGAGTTATTTCCATACTCTCTCCAGATATTTTCAACCAACTGCGCAGGGAGGCGTGGGGAGGAATTGATTTTA  
CTCAAGATTTTATAGAAAACTTTCCATGGAAGGAGATCTTAAAAAGAAAAAATATATAAATATATCATTT  
ATTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCCAAACTTTATCAATCCCCCAACCCCAGGGGG  
GGCCCCGACCCCAATCCCCCTAAAGGAGCCAAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTACACCCCCGGG  
ACGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAATTAATCCCTTTGCACCACTTCCCCTTTTCCCAGTTGGGAAAAAAC  
AAAAAGCCCCCCCCCATTCCCCCTTCAAACATTTCCCACCCCTGAATGGAAAAGGGAACCCCCCTGAACCGC  
CCCATAAACCGCGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_4693 XM\_002893360|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata B5 #6, mRNA

AGCATTTCGGCCCTCTATTCCATTCAAGAAGTCTCACAGCACAGTTCAGCGACGACCGTTGGATCATTATCGA  
TGGCAAGGTATACGATTTGACTTCATATTTGGATGAGCATCCTGGTGGAGATGATATTATTGTGACTGCAACT  
GGCAGAGATGCCACAGATGATTTTGAAGATGCTGGTCATAGCAAAGATGCCAGGGAGTTGATGGAGAAGTTC  
TATATTGGCTTGCTTGATACATCTTCCTCGGATAGCTTAAACTTGAAACGAATCAAGTAGACAGTTATGCAAC  
TCTGGTTCAGACCTTGACAAAGCAATACTGGAAGGCCCCCGTTGCAGTAATTGGTATTTCTATGGTACTTGGTT  
GGGTATACTTGCGAAAAAGTGATTCCAGTGCCAACTAAAGTCTGCTGGCTTGTTGAGCTTAGAGAGTTGGTC  
TCATTTTTGCTTCTTGAAAACTTCATATATTTGTTTCAATATATTCATACAATGATCGTGGTGGGTTCTTTGTTT  
CTTAATAGTATTGTAGAAAGAATTATTTCTCGTTAATTGGTAGGTTTGTATTTGTTTCCGTAGTTTCATTGG  
ATGGGAGTTGGGAAAATGGTTCGGGTCGTCTGCTACTTGAGCTAACCCCGATTTGGTTTGATCCAAACTGAT  
GTGTTGAACTGAGTTTATGTGGGGTCTTCTAACAGGGAAATTTATAGGTTCTCAAAAAAAAAACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4694 HM122441|Malus x domestica ARF domain class transcription factor (IAA11) mRNA,  
complete cds

AGTTCCTATTGGTAGAAAAATAGATCTCAATGCTTATGACAGCTATGAAAACTTTCTTCTGGTGTTGATGAAC  
TTTTCAGAGGCTTACTTGCAGCTCAAAGAGATTCTCAGGTGGTGGCGTTTTGAACAAGCAAGAAGAAGAGA  
AACCGATCACGGGTTTGCTAGATGGAAGCGGGGAATATACTCTTGTTTATGAGGATAACGAAGGAGACAGAG  
TTCTTGTTGGCGATGTCCCTTGGCAAATGTTTGTTCGACCGTGAAGAGGCTGCGTGTGCTCAAGAGCTCTGA  
ATTACCCTCCTTGAGTCTTGGCTGCTCGAAGTCACAGAAGATGGTGCACGACCCTTCGACTAAGTGAAGGAAG  
AGCTTTTTAAATCTGAAGTTTGAGAATAGACATTCGAATGTTACCTTCTATAATTTGGCATCTAATATTATTATG  
AGGTTGAAGAAATTGGAGAGAAAAATCATCTCACTAGTAGTAGCATGCTTAATCATCCATCCCATAGAGTTT  
AATGGGTTATGCTTTTGGTTTTGTAATTTCTGTAAGTTCTTGTAATCAATCTGTCATCTTTTCTTCTGTAGA  
AAGCCTGAGTTAACCAAGTTGTTTTGCATTGTAACACCAAACAAGTGAGTGATTTGGAGTTTAAATATAAATT  
CCAGTTTAATCGGAGAATCCATCATTCTCCAATAAACTTTTAAGTAGGAATTTGTTACAGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4695 Novel Gene

AATGGCGGCAACTCCTAGGGTTTCATCACTATAACTCAACGTTTCATCACTATCTCTTTCTCTTGCCGAACC  
TTCGTCTTCTGCTCTCTGCTACGCTTCGCTTCGCTTCACTTCAATTCATCCCATTTCGTCAACGACAATGGCGGA  
CAAGGCAGTCACCATACGAACCCGGAAGTTCATGACCAACCGGCTTCTCTCCAGGAAGCAATTTATCATTGAT  
GTTCTTCACCCAGGAAGACCTAATGTCTCTAAGGCAGAGCTGAAGGAAAAGTTAGCAAGAATATATGATGTG  
AAGGATGCAAATGCAATTTTTGTCTTTAAGTTCCGAACTCACTTTGGGGGTGGAAAATCAACTGGGTTTGGTTT  
GATTTATGATTCTGTTGAAAATGCCAAAAAATATGAGCCCAAGTACAGGCTCATCAGGAATGGACTTGACACT  
AAAGTAGAAAAATCAAGGAAGCAAATGAAAGAGAGGAAGAACAGAGCGAAGAAGATTTCGTGGAGTAAAGA  
AAACAAAGGCCTCAGATGCTGCCAAGGCTGGAAAGAAGAAATGAGTTCAGTCTTTGTTTTGTGCCTCAGTG  
TTTTTCTCTATCATGTCTTTATTTCTGTCCTGCTAAATTTAATTCTTAAGTGGTGTGGGCACTGCCAATGAAAT  
CCATGTCTGGAGAATTATTGACACCAATGTTTTGCCATTAATTTGAATTTGGGGAGTTTTTGCAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4696 Novel Gene

TCCCGCTTAGCCGTTCCGGTCTCTGCATCAGCGTCTGTCCAGAGGTGCCCTTGTTCCGTCAAAGCCTCAACAATG  
ACGAAAAGAACCAAGAAGGCTGGCATTGTGCGCAAATACGGTACCAGATATGGTGCTAGTCTGAGGAAGCA  
GATTAAGAAGATGGAAGTCAGTCAGCACAGCAAATACTTCTGTGAGTTCTGCGGAAAGTATGCAGTGAAAAG  
GAAGGCTGTTGGGATATGGGGTTGCAAGGACTGCGGAAAGGTGAAAGCCGGAGGTGCCTACACATTGAACA  
CTGCTAGTGCGGTAAGTGTAGAAGCACAATCCGAAGGTTGAGGGAGCAGACTGAGAGTTAAGTTAGATTTA  
TATTTTGTTCCTTCCGTCTTGTGTTATACTACCGGTTTGATAGTTTAGAGATATTGGAAGAAGATTGTTCTAA  
GCAATTTGTGTACCCATTTGACTTTTATTCCTAAGTTCTCACTCTGGAGCTTCTAACCTAGCTCTTCTTTGTGTT  
TTATCCATTTGAAATATCCTGGATTTTGGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACGAAATTTGGCTTGCTTTTTTTTTTTTTTATATGTATTTTCATCTCTTGGGAGA  
CTTTTCTAGTAACAAAGGAGTACTATAATACATTATGTTTACGATAAAAAATCCGCTATTCGTAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4697 NM\_101238|Arabidopsis thaliana ATE1; nucleic acid binding / nucleotide binding  
(ATE1) mRNA, complete cds

ACATTCACAAACGCCTCTAATGGCGCAGGCCGTTTCTGAGGAACACTCTATACGTCGGTGGTTTAGCGGAGGA  
GGTGAACGAATCTATTCTTCACGCAGCCTTCAATCCCTTCGGCGACATCAAAGACGTCAAGACGCCATTGGATC  
AAGCCACACAGAAGCACCCTTCTTCGTTTCGTCACCTTCTTGGAAGGAAGATGCATCCGCTGCTATGGA  
TAATATGGACGGAGCTGAGCTTTATGGTCGCGTGCTTACTGTAACTATGCCCTCCCTGAGCGTATCAAGGGT

GGTGAACAAGGATGGGCCGCTCAACCTATTTGGGCGGATGCGGATACGTGGTTTGAAAGGCAGCAACAAGA  
GGAGGAAATGCAGCGTCTTCAAGCTGAGAATCGAGCAGCTATGGAGGCTGCGGAGGAGCTGCACAGGAAGA  
AACTAGCGCAGGAACGAGAAGGGGAGAAAGACGAGGAGGTAGACACCAAGGACGATCCCATGGCCAAGGC  
TGAAGCTGAGGTCTTAAACAGAAGAGTTGAAAAGAAAAACTACCATTCTCTGAGGTTCTCTTACAATGAT  
ATTCTCCTTCTGTTCCCTATAGTTAATTCCATTCAAAAGTATAGTTTGATAAGCTGAAAAATATTCACCTTTCAT  
GAAAATTTGTAATCTTATTGAAAAAAAAAAAAACCTTAGAAAGTAGGAGTTTTTAAATCTGACAGCACTGTTGTT  
TTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4698 AY111747|Zea mays CL10790\_1 mRNA sequence

ATTCTCATTCTCTCTTTACCTCTCCCTTGCCATTTTGCGGTCAATGTTATGGATCTTGTTCAAGATACCTTC  
ATCCGATGTTTATTTATCTTTCCCGTGCCTTGATTGCCTGAAGGAGTTTTAATTTTTTTTTTAACTTGTTGATAT  
TTCGGATCCAACCTGTTTACTGATTCAATACATTTGTTTCATTTGCCAATGGCAGTGATGACAAATTCATATACCA  
TCAAACCTATGAAAACACTGCCTTCTTTGTAGGAGCTTATCTGCTCGTAATGTATGGAATACAAAATTGCATTAA  
GGCAATAAATTAGAGTCTCTGAGGCGCTCTTTCCGTAGCGTCTACAGCGCTGTACGTTGCCAACAAGAATTT  
GGGGCCGAGATTCTGGCACTTTCCTTAACCTCAAACGCCGGCTGTCTGACTTTGGAGGACCCTTTACAACCTGC  
GTACAGGGATTAATTGTTAAACAAGACGCTGAACAATGCGCTGATTTCTTTCCGATCTTGATTGAGGAATGG  
AGGAGCATTTTCATTAACAAATGATTGTTTAATGAATCTGTAATCCTCACCTTTATAATAATTTTGAAGACCAT  
ATGCTTCACCAAGAAAAGTTCAAGTCAATTTTCAATGGAAGGAACAATTTGAATGTAAGATTGATTATTCAAAGT  
TTGAAATTGGGTCATGTTCTTGGGATGAATACTATGTGAATGAATCGATGGACTTATGAGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4699 BT024556|Arabidopsis thaliana At5g03345 mRNA, complete cds

AGGACAGGTGATTCTGAATTTATAGATCGAACAAAAAATTGTGGATTGTGGAGCTAAGCAAGGAGAAGATCC  
CATCTATATTGCTTCACCTTCACTTTGGAAGTTTTCTTCGCCTCCGCCGTCATCAACATCAACTCTTTGGTAGCTG  
AGATCCGTCGAGTCGAGATGGGAGTAGGTTTCGTGGTGGTGTTTTCGGAGTTCTAATTCTCGCTCATGCTGC  
TTATTCCACCATTCATATAGGAGCTTGTTGAAGATCATGCAGGAAGAGTTTTCTGGCCCTCCGTTTCATGTGG  
CAATCGAATTGATTCTAGGGTTAGTTTTGTCCATGTGGGCTGCACTACCGTGCCAGGGAAGTTTCACTCGATT  
AATCCAGAAGCCGAGGAGAATAGGATAGTTTCTTCTCCTGCGAATCAAGATTTTATGGTCTTCAACCACCGAG  
GCAGACTATTTCCCAAGGAAGCAGATTTGAAGCTGAAACACTGAGATGTCTATCATGATTAAAGTAGACCCTG  
GGGAATTCAACTGGAAGCAGAAATGGACGTTAAAGAGAGCATAAAGGAGATATTGCTGCGCTCCATCAATC  
TAATGTTTCTTCACTTGTTTATTATTTTGGATACTGTGAGGTTTTTCCATGTTTATTTTATATTCTCTGCCTCAAAA  
CAAGGTTTTTCCAGTGTTATCGAACTAGGCTCTTGAATCAATACAAAAGATTAGTATGTGTGTTTCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4700 FJ771992|Vitis vinifera cultivar Cabernet Sauvignon stress induced protein (SIUP1)  
mRNA, complete cds

CCACAAAACCCATAACTCAAAAAACCTCTCCAACCCCATAAATCCCCCACTTCACTTAAAGCCTTTGTTTCTCTCC  
GTCCCATGGCTTCCCATCAAACCAGACCACCTTCAACGCCTTATTCACCTCTAAACGACCAACAACAAGACGAC  
CTTCAAGACATCGACGACTCCATTTCTCAAATGGGTGTGGCTGTTTTAGCTGTTGGGTTTCGGATCCAATCG  
GAATAGGAATTACGAAGATGCAAATCTTCTGCAACAGAAACAAGGGAGGGAGGAGAGTTGGATGGTGA  
AGAAATTGAAGAAGGTGAAGGAGGTGTGCGAGATGGTGGCTGGACCGAAATGGAAGAATTTTCATTAGAAAA  
ATGGGTGGATATTTGAAGGGGAAGAAACAGAGGAATCGATTTCAGTATGACCCCGAAAGCTATGCTTTGAAT  
TTCGATGGGGGTTTTGACGGAGAAGAAGATGATCATCATCCACCTATTGGGTTTTCTTCGAGGTTTGCTGTGC  
CTTTGGCTTCTAGGGAATAACATTGAAGCAATTAATTTGAGTGATTGATTGATTGATTGATTTCAATTGTGATTG



>trans\_c\_4701 Novel Gene

>trans\_c\_4702 AY307050|Hyacinthus orientalis cultivar Delft Blue DNA-directed RNA polymerase II-like mRNA, partial sequence

>trans\_c\_4703 NM\_001056186|Oryza sativa Japonica Group Os03g0265700 (Os03g0265700)  
mRNA, partial cds

AAGATCCCCCTCCTTACTCACCCCCTCATAGGCAACGGTACGAATCATTTGAAAACCCTTTAGCAGGGCGTGGT  
TCTCAGAGTTTTGGATCTCAAGAAGAGCGTGCCTCTTCTGGAATCCACAACGTGGATCCGCTCTCTATGACTT  
CACTGCTGGTGGCGATGATGAGTTAAGTTTAACAGCTGGTGAAGAAGTCGATATTGAGTACGAAGTAGATGG  
CTGGTTTTATGTGAAAAAGAAACGCCCCGGGAGGGATGGAAAAATGGCAGGGCTCGTTCTGTCTTTATGTT  
AATCAATCTTGATTTCTGTGGCATGTTAATCATGAGGCTTCTCGATGAATCCCGACATCACGACATGCCTTGC  
AAGTTCCTTCTCCCTCCCCATTATTTCTTTGCCGGATCCACATTTTCTTCAGCGGGCTCCACAATATCTCTACT  
GGTTTTATAGGTGGATACTACAACGGTTTGTTCAATTAACCTCGTTGCATCCATATGATGTGTGCTTTGTTATTC  
ATTATTTTTTGGGGGGTATGATAGTCGTGGCAACGAAGCTCATATGTCATTTGATTTTAACACGATCTTAAATG  
GGAGGTCATGCTTGGCCAACTATGATCATGTTCTTGAAACAGTAGGAAGATAGATGGGATGCATTATTGTTAG  
TGTATGTATTTTATTACAGTCATTTTCATCACATTTGTTCTAATGAGAAGTCGAGAGATTTTCGAGCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4704 Novel Gene

TCTTAATTTGCTTGATCTTCTCAACACCATCAGTTTTTCTTTAACCCAATTGGGGAATTCTCGGGTTTCGCTTTCT  
TATGCTCTGAGCCTAATTCAGAGCTCCCCTGCAATGGCGGTTTCCCGTCTGAAACCGATTGCTCTAAAGAGGTA  
TTCCGAAGGATTGGAGATTAGAGGAAATGTGAAAGATCTGAAGAAGGGTTGCTCCGGCGAGGAGAGAGCGA  
TCGAGAAAAGCTTTGGCAACAATGGAGGGAATTGGGTATTGGATATGTGGTATTGTGCTTTCTGGTTGTGAAG  
GAGATGCAACGGCATATTTGGAGATGAGGAGATTAGCCTCCGGTGTGACGGTTCGGCGTTTAAGGCGTTGG  
ATTCGGTGATCTCGGCGGTGGTTGCCGGGAAGGGGAGTGTGCCGGAGGAGGTTGAGGAGGTGAACGTTGC  
GGTAGAGATGATCATCGGCGGTAGCGGCGAGGCGGTGGAGGAGATGAGGAAGAGAATGGGGAGATTGGA  
GAAGACGGTGGAGGGAATGGGGAAGGAAGTGGATGGAAGATTCTCGGAGGTTCTGGACGGAAGAACTCGA  
ATGCTTGATGTTTTCAGACACTCTTAAAATTAGAACTCTTTAAGAACTTTTTCTCCTATGAAAGGGTTTATTGTG  
CTTCTGTCAATGTGGATTTAAATAATGGGATTTTCCTTGTTATGTAATTTGGTTGAAATTGTCAATAACGTATCT  
AGAGATACCATAGATGTGTGTATTTGTATAG

>trans\_c\_4705 AF032386|Nicotiana tabacum aldose-1-epimerase-like protein (GP40) mRNA,  
complete cds

AGGGCAAGATTTCTTCATTCTTTGGCAAATATGGCTAAATTTTTCCTTGCTTTATTCTGTGTTGTTGCTTTAGCTG  
TTTTTGGGTTTGCTAATGGGTATGAGAAGAAGGGGGGAGATTGGGATTTTTGAGCTTAAGAGAGGTGACTTTT  
CGGTGAAATTTACCAACTGGGGTGCCACTATTGTGTCTCTTCTGTCCCAGACAAGCATGGGAAGTTGGATGA  
TGTTGTTCTTGGGTATGATTCCATTCAGGAATATCAGAATGATACAGCGTACTTTGGTTGATTGTTGGAAGAG  
TTGCTAACCGAATAGGCGGTGCGAAATTCCTTCTGATGGAGTTCTATACAAGCTGATTGCTAATGAAGGCAA  
CAACACACTTCACGGTGGCACTAGAGGCTTTAGTGATGTTGTCTGGAAGTGACCAAGTATCAGAAAGATGG  
TAGCTCTCCTCAAATCGTCTTTTCTACCGCAGTTTCGATGGCGAAGAAGGTTTTCTGGTGATCTCTTGGTGA  
CTGCCACCTACACACTCATTGCAAACAACCAATTGAAGTTGACAATGCATGCCAAAGCTCTAAACAAGCCTACT  
CCTGTTAATCTAGCTCAACACACCTATTGGAATCTTGGTGGACATAACAGTGGCGATATTCTGTGCAATCATCT  
TCAGATCTTCGATCCCGCATCACTGTCGTTGATCATAATCTCATTCTACTGGAAAGTTAGAACCTGTCAAAG  
GAACTCCATTTGATTTCT

>trans\_c\_4706 EU395433|Prunus armeniaca cultivar Modesto alcohol dehydrogenase (ADH) mRNA,  
complete cds

ATTTCTCTGTCTTTGTTTTCTTCATAATCATACGGCGATTCTTCCTTTTCCCAGGAATTGTAGACCCATTTGC  
TTTCCAAGATGGAGGGAGCAACCAAGAACGTCTTACTTTCTTCCGGTGGGGATGAGATCTCCAAGAATCTGGC  
TCTTCATCTTGCCAGAAGGGGTTGCAGATTAGTTTTGATTGGAAATGAGTGTGTTCTTCAGAGCATGAGTAAG  
ATGATAGCGGAATCGTTAAAGGGTGTACTGCCAATTGAGGTTGTTGGGTTGGACATGGAAGAAGAGAGAGA  
GGCGGCTTTTGATGAGGCTGTGAACAGGGCATGCAGTGTTTTGGAACTTTGGATGCTTCGTCCATGCTTAT  
TCTTATGAAGGTCCCATAACAAGATGCTTTACAACATCTGAAGAGGAATTCAAAAAGATTGTTAAGATAAATTT  
GATGGCCTCATGGTTTCTGATGAAGGCTGTCTGTGCAAGAATGCGAGACCAGAAATCAGGAGGTTCAAGTAAT  
TTTCTTAACCACCTAATTGGTGCTGAGAGGGGATTGTATCCAGGAGGAGCTGCATATGGATCGTGCTCAGCA  
GGCTTACAGCAGTTAGCTCGAGTATGTTGTTGTCAACTTGTCATTGATTGCTGCCTCTGGTTATTCTTTGTT  
TCATTGCAGCTATTATTTTTGCTTGCTAGGATCCTTTTACGAGTGTATTCTGCATCATTAGTTGTTAGAATA  
AGTTATTCAAACCTCAAACCT

>trans\_c\_4707 NM\_001061071|Oryza sativa Japonica Group Os05g0128100 (Os05g0128100)  
mRNA, complete cds

ACATTCCTTCCTCACCTTTCCTCTTCATCTTCGTCATCTTCGTCAAGGTTGAGAAATTCCTTAAAAATGGCGTAAC  
AAGCACTTCTCCATCTCTCCGCCCCTAAAAATCTACTTCCACTATGAATTCTATTTTCTCCTCCATTGAATTCCG  
TCTTCTACCATCACCAAATCCACCACAACCACAACATAATCTCCACATCTTCCACCAAATTCATCTTCTCCTCAA  
ACGACCTACCGTTTCAATTCAATAAAGACCAATTCAATTCTTCCAATAATTCTCTAATTCTTGAAACAGCACT  
ATTCTCCGGCACAATCCGGCGACATTTCTGTCTACTCCAGACAAGCGGCGTACTTCTGATTGCGTATTTGAT  
AGCGAATTTCATTTTCCCGGAGTTTATTATGAAGTCATACCGATCTGATGATGAGAGCGAGGGGAAGGGTGG  
GGGTGGAAGATGAAGAAATCAAGCGGAGGGGAGGAAGAAGCTTCATTTTATATTTGTGTGTAAGAAAATTGG  
GATAATATTATTGGGTTCAGTATTTTATTTTCCATTTTGATTGAAAAGGGTAGTTCTTGATGTTTATTTTGA  
AAAATTTTCAACATATTTGTGGAAGTAGAAGATGAAGATGAAAGGTGGGGAGAGGAAGAGAGAAAAGGAT  
AAGAAATGAGTTCCCATGAGAAAAAAATTGTTAACTAACTCTTCTTAAGATGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4708 FJ402841|Solanum nigrum extensin-like mRNA, partial sequence

CTCCTCCCCCTCCTTCACCTTCTCCTCCTCCCCATACTACTACAAATCTCCCCACCACCAGAGAAAGTAACTCC  
TCCAGTTTACATTTACGCATCTCCACCACCTCCTCCCCACTATTAAGCGCTAAAAATCCTCAACACCAATCTTGTT  
TTATTTTCAAACTGGAATAAAGGAAGGCTTCTTTATTAGCGAAACGATTAGAGGTGGTGAATTCAGCCCATT  
GAATAATAAGGGTCTTTTGCAGAAACAAAGCATTTTTCAAACATTCATAGTTGGGATCAGATTGCATCTTCTT  
CTCTTGTTGCCATCTTTCACCTTCTTATTATTTATTAGTTCTTCTGGGAAATTGGCTTCAAGGGTTCAATTGGCAT  
CCATGGCAGGGCTTGAAAAGTTGCAGAAGATGATGAATTATTTTATTAGTGATTGATTGTGAAGCCTTTTTT  
TGTTATTTGTTTTAATTTATATCTATTTGTGAATACATCAAGTACGCATTTGTGTAAGATTTGTGATTTTGTTCAC  
TTTGGGTATTTATTTTATTTGTGGTGCGTACCTTTGAGTTAAATTGTAGAATCCCCATTTTCAATAAGATCATA  
GCAATCACCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGGCCCCGAAAACTTATCAAA  
CCCCCAACCCCC

>trans\_c\_4709 NM\_118818|Arabidopsis thaliana SUMO1 (SMALL UBIQUITIN-LIKE MODIFIER 1);  
protein binding / protein tag (SUMO1) mRNA, complete cds

TAGTTTTTCAAAACTTATTCCTCTTTTTGACGGGGCGGAAATCGGGAGAATTGGAGCCCTAATCTCTGGTAT  
ATCGGCGAAGATTGAAGAATGTCGGGGGTCAAAACACGCAGCAGGAGGAAGACAAGAAGCCCAACGACCA  
GTCCGCGCATATAAACCTCAAGGTCAAAGGCCAGGATGGGAATGAGGTGTTCTTCAGGATTAAGAGGAGCAC  
TCAGCTGAAGAACTAATGAATGCTTACTGTGATAGACAATCTGTGGATTTAACTCCATTGCTTTTCTATTTG  
ATGGTCGTCGCCTTCGAGCAGAGCAAACTCCCGATGAGCTAGAGATGGAGGATGGGGATGAGATTGATGCA  
ATGTTGCACCAGACTGGTGGATCGTCTCGTTGAAATTGGTGGCGTTGGTTCTGCTCCATTAGTGCAAGCATTTT  
CATTGAATCGGGAAATGTGGGTCAATTTAGAGGTTCTTGAGGTTTATTATTAAGTGATGATCCCTTAAGAAG  
ACTTCCCTACGTTTTAAGCTTTATATTGTGAGGTCAATGGCTATCTTCTGGTCTCAGTTATTTGCTTGGCTCTTTG  
TATGGATGGAAGCTGTTAGTAGCATAGTCGAATATTTGTAAGCAGTTTCGTTTTTCTTCACGTTGTGAGCTT  
TCTGATAACAAAATGCTAAGACCATCTTAAATTTGGAATATATTCGTCGATCTTCCAGTTTACGAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4710 NM\_115117|Arabidopsis thaliana ATP binding (AT3G52570) mRNA, complete cds

GGCAGTTCAAAATGGCCGAATTTTGAGAAACAAATCCGGCATCCGCCTCCTTTCTCGAATCATTAACCTGCCCG  
GATTTATCTTTTAAATGGCCACTCATGGAGATCTCTACAACTCTCGCTACGAAGAGGTTTCAACTTCACCGGA  
CGGACCTTACGATTCAACCGCTTTCGTTCTTACGGTCTCTTGGGTTCAGGAAGAAATTGGAGGTCCTTCTCTC  
GGAATCTTCTATCAAGGCTTCTAATTCCTCGTCTTCGGAATGGAGAGTGGTGCTTGTGGATTTAAGGAACCAT

GGGAAATCAGCTGAATTGGAAGGTTTTGATCCTCCTCATGATATGGTGAATGCTGCTAAGGATTTAGCGAAAT  
TAATCGAGTCTCAAGATTGGGCATGGCCGGATGTTGTTATGGGTCATTCCATGGGTGGGAAGGTCGCGCTTC  
AATTTTTGGAGAGCTGTAATCGTGGTGATTATGGAAATTTAGCTTCATTGCCAAGCAGAGCAGCTATGGGTG  
CTTGATTCACTCCCTGGAAATGTGAACCCGAAAATAGCGATGGAGAAGTAGAGAAAGTTTTGAAAACACTG  
CAGGGTTTACCTTCATTAGTACCGTCGAGGAAGTGGGTGTTACTCATATGATTGAACTTGGTTTCTCGAAGTC  
ATTATCTGACTGGATAGGCAGTAATCTGAAGAAATCTGGGGAGCACGAAACATGGAGTTTCAATCTTGAAGG  
TGCTGTACAGATGTTCAATTCTT

>trans\_c\_4711 XM\_002870221|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L27, mRNA

TTGGAGGCTTGGAGGCAGAGAGCAAGGAGACGGAAAACACAGAGCAGAGGTGAAAGTTCCAAAATGGTGA  
AGTTCCTCAAGCCTAACAAAGCCGTCATCGTCTTCAAGGCCGTTACGCCGGCCGGAAGGCGGTCAATTCG  
CGCTTCGATGACGGGACTCGGGATCGCGCTTATGGCCACTGCTTGGTCGCTGGAATCAAGAAGTACCCGGCC  
AAGGTCATCCGCAAGGACTCTGCGAAGAAGACCGCTAAAAAATCCCGTGTCAAGGCCTTCATTAAGCTCGTCA  
ATTATAGGCATCTGATGCCCCACTAGGTACACTCTCGATGTGATCTTAAAGACGTTGTCACTATCGATTCTTG  
CAGTCAAAAGACAAAAAGGTCTCCGCCGCCAAAGAGACCAAGAAGAGGTTTCGAGGAAAGGTTCAAAACCGG  
GAAGAACAGGTGGTTTTTCTAAGCTCAGATTCTAAAGTAGCTCATTCACTTACTGGTTTTCTTCTGGATTACT  
CTCGTATTAGTTATTGAGCAATTTAATTTTTTTTGTTCGAGTTATCGTACGTTCTATCTTCTAATGTAGTTT  
GTTTTGGTGTTTAATTTTTGTCTGGACGTGCTTTGAATGCTTGGATGAGAAATTTCTATGGTTATAAGGATACA  
TTTGAGACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAATATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4712 NM\_125154|Arabidopsis thaliana heat shock protein-related (AT5G57710) mRNA,  
complete cds

AAATCTGCTCGAGGAAGAGAAGTTTGCTAGTTTAGCAAGAAGAAGTTGGCAATTGAAATTATCCGTTAGCGA  
GCAGACACTTAACGTCGAGCTGAATGGGCACACGGTGAAGAACGGTGTTTGAAACCCAGATTAGAACTGG  
TTCAACCATAGCATTTGATCTGAACGAATCTGCCGATGCAGAGGACGAGAAGACAGATGGATCATTGAATTCC  
AGTGACGTAAGTACTGATCACGAAACCGATCATGGGCTCAACACTCGACAGTTATCATTACGACTGCATCAG  
CATCACGAGAGATGCTCAATAAAGTCGACGACGCAATTGTCTTCAAACCAAGTGGACTTCTCTCCAATCAAGCA  
CAGCATCACAAGCTCCATCAAAAAGAAGTTTTATCCATTGTTGGAGAAAAGATCTCACTTGAATTACAGGAG  
AATGCTGTTGAGAAGATCACAAGTGGGGTATGGCTTGGGAACACAAATGTCGAAGAATGGACCGAGAATTTT  
CTCGTTCCGAGCTTGAAAGAGCTCAAAGCTCGTCTTCAAAGTCCCAACACCTTCGAGTCCATGGTGGTTAAGCT  
CGAATCTGATGCTGACTTGGGTTGTCGGAGCTCAGAAGGTCAGCTGCCTTGTAGCATCAAGGTGATTGTAGG  
GGAAAAAGTTTGAGATTTGGCTGAGAGGTTCATAGCAGTTGGAATTTGTAACCTTTGTTGGATAGAGATGTAA  
ATATGCTTGAATGGAAGGGTAAAATCG

>trans\_c\_4713 XM\_002887542|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2184, mRNA

ACTCACCACAAGCAAACGCAGCAATGGCGCTCAACCTAACAAATTCCTTCCTTCACTTCAACGGCCAATTTCC  
TCGGCCGTTGCACCGCCCAAGCACAAGGAATCTGGAGCTAGAAGTACCGGCCGGTGGTGACCTGCCGGAAA  
AAGGATCTGCACCCCCAATTTACGAGGATGCTAAGGTTTATTGCAACGGAGAATTAGTTATGACGACCGGCG  
GGACCCAGAAAGAGTATTCAGTGGACGTGTGGTGGGAAACCATCCGTTCTATTTGGGAAGCCGATCCGCCC  
TGCTCGTCGACCGCATCAGGTCGAGAAATCCGCAAGAAATTCGGAGAGCTGTCGACGTTGATGGAGATTC  
CTGTTCTTAAGGGCGAAATCATCTGCCCTCAAAGCGTAAATCCGCAAAAGGGAAGAAGAAGTAGAAGATTC  
TGAAGATTTCAAGTTGGGTTGGTAATCAGTTAAATCCAAATGCATATTGAGATTTTGGTTCTTTCAATTGCTTT  
ATATATATCCTCCGTGTAATTTAGCAAAATCGACACTAATTTGTCTGAACCAAACGATTTGTTTCTTGCCTCGC

ACTGCCTTTGCTAATTCTAAATGCTCAAACCTGTTGATGAAGTTCTGAATGCACCAATGGATTAGTGTTTGGTGG  
GTGAGGAAATTCATGAAGGAAAGAAAGTTTCGAGAAATTAGATCAGGAATTGATTGGTAACTGACTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4714 XM\_002872999|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata non-intrinsic abc protein 9  
(ATNAP9), mRNA

AAAAGAAGCAATGGCGTTGAAGAATCGAGTGCCTGAAACAATGCCACGCCTCAGCTCGTCTTCTTTCTCACT  
CACCCACCAACCCAATTACTCATTTCTATCTCTTTCATCTTCAATTCCCTTATCAATCCCATTCTCATCTCCCAT  
TTCTCATCTCCCATTTCCATTCCCTCCACTCTGCAAATGCCTTCTTCCGATCCCACCATCGTCATCGACCGCTCC  
GATTCACTTACCCTGGAATCGACGGCCACCCTCCTCCCTGTTCCAAACCCCTTATTGAAAATTTCTCCCTCACCC  
TCAACTCTGGTGATCGTTGCCTTCTTGTGCGGATCCAATGGCGCTGGGAAGACCACGATCTTGAAGATTTTGGG  
AGGGAAGCATATGGTGGAGCCTCATATGGTTCGTGTGCTTGGGAAGGTCGGCTTTTCATGATACTGCTTTGACT  
GTTTCTGGTGATCTTTGTTATCTTGGAGGAGAGTGGAGGAGAGACATGGCCTTTGCTGGATTTGACGTTCCCA  
TTCAAATGGCTGTATCTGCAGAGAACTAATTTTTGGAGTAGGTGGGGTTGATCCAAAAGGAGAGTCGAAC  
TCATTAATATTTTAGACATTGATCTATCATGGAAGATGCACAAGGTATCTGATGGTCAGAGAAGACGGGTGCA  
AATATGCATGGGTCTTCTCAAGGCATACAAGGTTCTTCTTCTTGATGAGATAACTGTGGATCTTGATGTGCTGG  
GCAGGGCTAATCTTT

>trans\_c\_4715 EU189945|Medicago truncatula SINA1 mRNA, complete cds

AAATCAATCATCCTTTTTTCCCTTTTCATTCTTTGCTTCTTTCCTACTCTGCCAAACCCAGAAATTTTTCTGAGGT  
CCCGATCGATTCTAGATTTGGATAAGTGGGTTCTTGTTTTCAGTTCTATAGGGTTTCTTTTTCTGTAAATGGATT  
TGGATAGTATTGAGTGTGTATCGTCTTCTGATGGTCTCGATGAGGATGAGATTCATCTGCACCACACCCTTCAT  
CCTTATTCCCAATCTCATCATCATCCCGAGTTGTCCGCATCTAAGCCTCGTTATGGAAACAATAATACCGCTGTG  
AACGGTGGTCCCACTGCAACTGCGCCGGCAACTAACGTTTCATGAATTGCTGGAATGCCTTGTGTGTACTAATT  
CTATGTACCCTCCCATCCATCAGTGCCACAATGGACATACCTTATGTTCCACATGTAAACGAGAGTTTCATAAC  
CGGTGCCCAACTTGATAGACAAGAGCTTGGAGATATTAGGTGCTTGGCACTGGAGAAGGTGGCAGAGTCACTT  
GAATTGCCTTGCAAGTATTATTCATTGGGTTGCACTGAGATATTTCCATACTACAGTAACTTAAGCATGAGGG  
TTTGTGCAACTACAGACCCTATAGTTGTCCATATGCTGGGTCAGAATGCTCTGCTATTGGGGACATTCCTTTGC  
TTGTTGCACATCTGAGGGACGATCATAAGGTGGACATGCACACTGGCTGCACATTTAACCATCGCTATGTAA  
GTCCAATCCAAGG

>trans\_c\_4716 BT004659|Arabidopsis thaliana At5g53650 gene, complete cds

ATTTGTGAATAGAAATTTTTGTTCATTTTGCGAAGCAAAACGGAAGGGCGCGGGGTGGAAGAGATGGGTTACG  
TACTGAGAGTGAGAATGGCTTCCTTCTTCGCCGGAGCAGCGGTTGCATCCTCTCTGGGGCTTTACCTTCTTCAG  
AGAGATTACAAGATTGCTTACGACTCCATTCGCATAAGATGGGAGGGCTGCATGATTCTATGGGAAGTAGA  
ATTTGGCACTGGAAAAGCTGAATCAGAATGATGGTTCCCAACATGTTCAAGCAGCAGAGTAGACCCTGGGA  
AACCAAGCCAAGACAGTCGGAAGGGCCTTGCTGGAAGTATAAAGAACTTACGAAGAAAAATAACTGCAGAA  
AAATTGGTCTGCTTTGTATGCGCATCAAGATGTTTAGCTTTTACTTGGAATTTTTGTTTATTTAGTCTATGACG  
TTATTTTCAGTTTACGAAGCTATCTAGTTGTAATGATGTTACCATGCTCATAGAAATTCGCTAAAGTTGATGTG  
GCCGAACCCTGGGGTCTTCCCTCCGCTTGGGGAACACAATCCTTCATACTTTTCTCATTTTCAATTTGTCAAGGT  
TGGACTGTATTGTAAGACTTGTTAATGAGTTCGATGAGTTTTCCGAATGAAAATTGTGGGAAGTTTAATAATTT  
TTCAAGTTTCGGTTTTTGTATTTGCTTANGCATTCTACTTAAAACTTTCTGTTGCTAAATTAAGAAAAAGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4717 NM\_123654|Arabidopsis thaliana SCP2 (STEROL CARRIER PROTEIN 2);  
oxidoreductase/sterol carrier (SCP2) mRNA, complete cds

```
CTCTTTCACAATGTTAAAAGCCCATCGTCTCTCCATAATTATAAACGCCAGAGGAGCTTCGTCCACGCTCCATT
TTCCTCCACCTCTCTTCTTTCAATTTCTGTTCTCCACGTCGTTGCCAATGGCGAATTCCTCTAATTCCTCCCTCAA
ATCCGATGCTCTATTGGAGCAGATGAAGCAGCATCTCTCCACTGATGCCGAAAAGAGATCGCCAAGAAAGT
CGGCTATGTTTATCAGCTTAATATTTCTCCAAGAAAATCGGAACTGATGAGGTGGTTTATACCATTGATCTCA
AGAAAGGGGAGGTTATCAAAGGTCCATACGAAGGAGGAAAGCCAGACGCCACCTTATCCTTCAAGGACGAA
GATTTGCTTAAAATTGCTTTGGGGAAGATGAATCCTCAGATTGCTTTCTTGAGGGGTGCTCTTCAAATCAAGG
GGAGTATCGGTGCGGCACAGAAATCACTCCCGCCATTTTCCCAAGCCTGCAAAATTATGAGCGGTGCGAAG
AGGGAAACTGCTGTTCTGAAGCTATTACACATTGTCAATGTTGAGAGATATATGGGTATTTACACAATAAAA
GTTAAAAGAAGCTGCTTTCAATTGTCTCTAAATCAATAATTCTAATGTCAAATGTATTAGTCCAATTCCTGTAGG
ATATCATAACATGTTGGGAACTATATCTCTTATTTAATGTTCAAATCATCTTCTTTGTACAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
```

>trans\_c\_4718 XM\_002885210|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing  
protein, mRNA

```
AAAACCTCAACGACCTTCGACCAAATCCCTCTAACCACCCATAAACCCATTTCTCTCTTTCTTCTCCGTCGCCATA
CCCATGAGCTCCACATTTGCTTCCATGTCTTACCTTCTTCTTCATCTCTTTCATCCATCTTCAATTTCAATCCATC
TAATTCTAAAATGGTCTCATTCTCGAACAATCTTCGTTTTGCTGCTCCCTTTCTCGCCATTCCATTTCTGTGCAT
CCGTTTAGGGTTAGGGCTTCTCTGTTCCCGTTCCAGGACCCACCACCTGTTGTTCAATGTCTACGCAACTAC
GCCAAAGCTGCGATTCTCATCGGTGCTGCAGCGACCATGGTTGGGAAATTCTCGAATTTGCCTGCCAGAGCTG
AGACGCCTGCGGTGGTGGCTGAGGAAGCTTCAAGAATGGAGGAAACCTCCCCAGATAAGCGGATTGTTGAG
GATTCAGACCAGGACGGGAGGCAATCCTCGCCGTTAAATGACTTTCTCGAATCGAACTCTGAGGCTGTGCGAG
GCCCTCAAATCTCTCTACAGCAAAAGCTTGAAGATGGTGAAGATGAAGAAGCGCTGAAAATTTGAAGCAAT
TGGTATCTGCTCTCCCGTCGGTGACCGAGTGGAATTTCTGATGGCTAGGCTGCTTGCGGAAATGGGCAAAAC
GGAAAATGCAAGAGAAGTTTTTTGAAGAGATTTTGGCTGTCGACCCATTGTCTTACGAAGCATTGTTTGAAAA
CGCATTGTTAATGGA
```

>trans\_c\_4719 Novel Gene

```
GCATAAATCATAAATAAACCTGTAAGCGGAATCCTCTAATCGATCCAAACGGTAATTCGACCTCCAGCTTTTCC
AATACCGACTCTTTCGTTTCGCCCCGAGAAAGCTCTGGAAAGTCTCCCATGGCGTACGTTGAACGAGGTGTT
GTGAAGTCCCAGAGATCATTTTGGCGTCTCAAACTATAACTGATTTCTTTTGGGCCATCATAAACATTATCGG
TGTGTTTTTTACCACCTTGTTCTCGATGGAAAAATCAGAGGCATATAGAAAAGGATCCGGTTCAGGGAAGAAA
TGGGACGGTGGTGGCCCTGGAGGTCCTGGGTGCGGACCCTATGGTGGTCGTCCCCGCGGTCCACCTCGTGGT
CTGGACAATGTTGAGGGATTGATCACAGCTCGTTACCTGCCTGTGGCTCCTGCTGTGGCTAAGATTTGGCTG
CTTCCATGGTGCGTCTACACAATCTTATTTCAATTTAAAACTGTGAGACGTGGTGTAATGTTGATGGAATG
TGTTGTGCGAATATATTTTAGTATTTGGTGTGCAAGTAAACGTAAATCCTTCATAGATCAACAAGTTCTCTCAT
CATCTCATCTTTACTTTATGAGATAATGTTGTTAACTATTTTTATTTTTTCTGCAAGTGTTTATCATTTTAAAGAT
AATATAATACTATTACCTTTTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAA
AAAAGAAAAAAAAAAAAA
```

>trans\_c\_4720 AF467945|Vitis vinifera lipid transfer protein isoform 1 mRNA, complete cds

ACAGAGCGAGTGAGAGAGGTAGAGAAAAGCAAGTAATTGGATTTGTGGAGGGAGTAAGCAGCAGCAGTAG  
AGCTCGGAGATATTAAGCAAAACAAAAAGAAATGGAAATGAAGTTGAAGGGTTTGATGATTGTGGGGATTGT  
GATGATGTGTATGGTAGTGCTGGGTGAAGCGGCTGTGACGTGCGGGTCAGTGGCTTCTGCAATGGGGCCAT  
GCATCCCATATTTGAGAAGCCCATCAGCGCGTCCGTTCCAGCAGGATGTTGTAGTGGGATTAGGAGCCTCAAC  
AGCCAAGCCGTCAACACTGTTGATCGCCGACCGCTTGCAACTGCTTGAAGAACGCTGCAAAATCCATCTCCG  
GCATCAACTATAAAGCTGCCGCTGGCCTTCCCGGCAAGTGTGGTGTGAGTATTTCTTACCCGATCAGCCCCAAC  
ACCGACTGCAGCAGGGTGAATAAATAAATGGTAATCATAATCATCCTCCACCGCATGCATCTACTGCCTCACT  
ATTATAATTATAATTATTATATTAGTGGTCTCGGTAGCTTAATTAGCTTAGCTAAATACCCAATATAATAACAG  
CATGGGGCTACCTTGTTGTTTGGATATCCATGCTTTTTCTTTTTCTTCTACTACGTCTACTGTGGTGTGTGTGTG  
AGTATGAGATTCCAATGGTTTCTATCATTGCGAATTCCAAATTATCAATTATCAATTAATAAATAAATTTCTCT  
ATTTTCTTGGAATTAACCG

>trans\_c\_4721 NM\_117484|Arabidopsis thaliana transferase, transferring glycosyl groups  
(AT4G14100) mRNA, complete cds

ACTCCATTTACCTCACAAATTTCTCCGAAATCTCCAGATAACCGACCTTTGGTACGACTGGCCTAATGGTCGG  
AACTTCAACATCCTTCAACACCAGCTCGGCAGCCTTCTCTACGGCCTCGAATGTAACAACGGGACTGAATTCCT  
ATACACTTTAGATTCTTCCAAGACTTGCAATACCATGCAGTTTGAGGTGGGTCTTCTCCACCAAATTGGCTCG  
ACGGAGCCCATTATCTGGGTCAACGCCATGTCGATGGTTTCCTCTGCAATGTCTGGGAGAAGGTCGATTTTCAT  
CTGGTATTACGAAGATGTTGAGACTAAAATACCCGTTTATTGGGTCTTCTACGATGGAAGAGACGCTCATGTG  
ATGACATTTGAAGTGGGAGCTGTGCTGGAGGATGAGAAATGGCAAGCCCCTGTTTACTGCTTTGATGGCAGC  
GGAAATACTGCCAATGATGTGGCTCTCCACCAGAATTTGCCTTTAATGGCTGATGTTAAAAAGAGGCTTCTCCA  
CCAGAATTTCCCTGCCATTTGACACCTTTTTGGTAGTCCCATCCATTGCCGCTGAACTTAATGTTCAATTTGAA  
TAAGTTGAACCCCTGAAGTTTGCAATTATATGTTTCATGTTTGTCTGTGAGTGAAAATGGAATTTCCATGTAT  
CCTTCTAATCGTATTATATATATTATACTGCAAAAATAATATGAACAGCTACTCCTAGTAGTAGTGTGTGTATA  
AACTATTTAACTAT

>trans\_c\_4722 GQ150945|Oryza sativa Japonica Group cultivar SuYuNuo soluble starch synthase I  
(SSI) gene, complete cds

ATCCCATTTGTGGACTTTGTTGAAATTGTTTCTCTACGAAAAGGATAAGACTTCCAAATTTCTCACTGTTTTTT  
CCAAGTGGGTCTCTCCGATCTGGTAAATTTTTCTTCTAATTCCGTTGAATTCGTCTCTTGTTTTTCGTTTTCTG  
TTTCGATCTCGAGAATACCGGAGGATATCCATGATGATGTTGATGAAATTGAAAGGAAATTTTCGGATTAGAT  
CTGTGCGTTTGGTGTTGCTTTAGATGCGGAGAGTATGGCGGTGATGTTTGTGATTGTGAATCTACGGGGTTTT  
TTTTTTTTTTCTTTTTAAATTGGATCGGGTTGTGGTTTCCTTTGATTTCTTGATCTGCGATCTGTGTGGTTTTGA  
TTCGTTGAAGAATGTTTAAATCTACTTGTTCTTCGTTGTTTCTTTGCGATCTGATTTCTGGAGCCGGGTTTGAA  
TCTTTGCGGACAGGGGAATTTCTTCATTTTTTTGTATGTTTGAAAATTTGATTGATTTATCTAGATTGGAGTTT  
CAATTTGCGGTTCTCTTTTGTGATCGGGATTTTTGATCTGTGATCCGGAATCTTGTTATTGTTTCGTTTTTGTA  
CTAGGGTTTCATCATGTAAATTTGGTGATTTTCGATATGGTCTAATCCTAATTTGGATCAGAAGAAGAATGCACT  
TAGGTTTTGAATTGATTGATCTGGATGACTGGAATCGGATTTGTTCTTAATACTTATTCGTGTAGTGTGTGTTAA  
CGGA

>trans\_c\_4723 NM\_001066055|Oryza sativa Japonica Group Os07g0440100 (Os07g0440100)  
mRNA, complete cds

AAAAGGCACCAAGCATTGCGATCACTACCCGCTTCCGACGACGGTCACGAAGCCACCCCAATACTTGAAGAG  
TTAGGAGCACCTTGGGAGGAGGAACCATGACTATTGTATGAGTGGCCACCGCCACCACCCCTCCACCACCTC

TTCTCGACCATTGTTGTAGTAGTTCCTTTGGTAATAGTTTCCGGACTGGTCGTAATATCGACTGCGTCCATTCT  
GGTAGGAACCTCCTCCTCTTCCATCCCCCTCGACCCCCACGGCCATTGGAGTATCCTCTTCGACCACCAACACCA  
CGCCACCTCTTTGGTTCATATATCCTCCCCTTCGAGGAACGTAAGTCTGTTCTCTTGCATCTCCGTCCGCATGT  
TTCTGCTCAAATTCCTCTTCTGGTCTCACTTCTTGTGTGTGACGAATTCGGAGGAATTTCCGGTCTCTTGCACA  
TCCTGCAAAGCAAAAGAGTCTCAATGTTCAAATAAAGAGATACCAAGGGGTGGAGCTATAGAGATAGAAATA  
CTGGGGGGGGCATACACTAGGCAGCTCGTCAGCAGAACCAGGTTGACCATCACTGATATCATCTCCTTGCACA  
TCTCCACGTGAGCATCTACAAATTAAGGAGTTATACAAAAGATTATTATTCAATTCAGTAACAGCAACACAA  
ATAAAAACAGTTTTGCAGTTGAGAATAATCAATTTAGTAAAAACAGTTTTGCAGTTGACAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4724 Novel Gene

ATCTTGGAGCTCAGATTTCTCCTTCCATGGCGGCCATTCCATCTTCTCACTACAATTCCTAACTCTCTCACACT  
TCCTTCCAATTCAAAGTCTCACAAGCCCAGGCTTCTCACCTTCTAACCAGAGCAGCAGATCCGGAATCTACCC  
CCTCGGATTGAGAACAACTGGATCTGACGGCGACGATTCGAGGACCGACTCGCCAAAGTCCGCTTCCGATA  
CCGAAGCGGAACAGGAAAGAAGGCAGAGATACGGAAGGCTCGGAAGTCCAAGAAAGGTTCTACCACTGCCG  
CCTCGTCGGTGTACCTACCGCCAGTGCCGCTGAAGGAGCCGGTCTCCGGCGGACTTAAAGTGGAATTCGGATT  
CAGTCCGTACAGCGAGAGGATCAATGGTTGGATTGCGATACTCGGAATTTGCGCGTTGGTTCTTGTGGAATTG  
GCGACTGGAAAAAGCGTCATCAGTTATCATACGCCGGCGATTATACTGATTCAAGTGTATTTTGTGGCGGCGG  
TTGCTGCGGTGTATATCAAATACGAGAAGGAGAAGGTTAGCGTTTGCCGCGGGATGAAATCAAAGTTAGA  
ATGAATCTTTGTTTAAACAAAATTTAGTATTGTTTTGGCTTGATTTTCATTTCTGTTTCTGAATTTCTACATTTA  
TTTTGAGTTATGTATGAATGAACACTAGAACTAGAAATGTGCAGTGGTTCAAGTGTTTAATTTAATTACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4725 NM\_179044|Arabidopsis thaliana four F5 protein-related / 4F5 protein-related  
(AT4G13615) mRNA, complete cds

CGATTACCTTTGGTTGACTCTCTGTTTTAGAGATTGGAATTCCTCGTTTCTTCGGCTAAGTCTCCACCCCAATCC  
TCCAATTCTACATCTTTCTTACCACCCCACTTCATTAATCTCCCTCCAATGACTCGTGGAACCAAGAGGGAGAAA  
GACCGAGAAAGGGCTCAGGCTCGCAACGGTGGCAAGGGTAAAACCAAAGACGATGGTTTGACTCCCGAGCA  
GCGCCGTGAAAGAGATGCTAAGGCGCTGCAAGAAAAAGCCGCGAAGAAGGCGGCTCAGGCGGCATCAGGA  
GGTAATTCATCCGAGGTAAAGCTAGCACTAAGAAGTAAAATGGTCCTGGGTTTAGAATCATGGATTATGTTG  
ATTTTTCTTAGCTTTGTTCTTGTGGAACGCCGAGATCTCGTGGTTCTTAGACTGTTTGATATTGGAGGAGTAA  
CCTTCATATGTTTCAGTAATGTGAATTGATATATGTATTATGCTGTCAACGTTTCATTGTTGATTATTGTTTTCAT  
CATCTTAGTACTCTTGATCTTTACTTCTGTTGAGGTAAGTATGCTGTCAATTGCGGATTTTGTTAAGAATTAGAA  
CCCTAATACCTACACCCCATCTGCTACCATGTTTGGTTCAAATAAAAGCATATTATTGTACCATGAAATAAAGT  
TTGTTTTTATGTGTGTGTTGTGTTTTAAATTAAATAAAAGCATAAGATATGTTGTATGAAGTGGAGATGATGCT  
AAATTATCATACTT

>trans\_c\_4726 Novel Gene

CAGTGATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACCCAGGTTTCATTCGATTTGTTGTGG  
ATTGGATGATGGAAAAACCAGCAAGCCGCTTGACCTTTCATACGAGGTCAAGGGTCAAAGAATTTGAGTTGT  
GAAAAGGTTGGAAGATCTGGCCAAAGAAGGTGATAGCCCTGTAGATTTCGTTCCCATGGTTTCGATCCTTCCAG  
TCAAACGCGGCGTGTTCGAATTCTGATCGCTTTACGCGAGAAAGGGGGACCACCTCTAAGCCTAAGTATTC  
CTCAATGACCGATAGCGTACAAGTACCGTGAGGGAAAGGTGAAAAGAACCCTATTTAGGGAGTGCAATAGAG  
AACCTGAGATCCGATGCTTCAATCAGTCGAAGGAGCGGCAAGCCTTGACTTGAGATTCTCTTAGTCAAGCTA



TCTCACTCTAACGGCGTACCTGGTACATCATGGGACAGAGAGAAAATGGGAACTGCGGCTTAAGCCATGAGG  
TGTAGGCGCTTTCCAGAGGTGGAAGATTCTCGTTCTTCTATTTGACCCGAAACCGATCGATCTAGCCATGAGC  
AGGTTGAAGAGAGCTCTAACAGGCCCTTGAGGACCGAACCCACGTATGTGGCAAATACGGGGATGACTTGT  
GGCTAGGGGTGAAAGGCCAACCAAGATCGGATATAGCTGGTTTTCCGCGAAATCTATTCAGCGAGATACGC  
AGCACGCTACGCCCCGAGGTAGAGCACT

>trans\_c\_4727 NM\_129251|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein (AT2G36950) mRNA, complete cds

ATTCGAAGAAGAAAAACAACCTCAAAAAAATGGGAGAGGCCAAAAGTTGAAGAACCAGCCGCTAAAAATGA  
ATCCGAGAAGAAGCCGGCGGCACCTGTACCGGCTCCGGCTCCGGCGGCTGTACCGGTAGCCACGGATGGCG  
GAGCTAAGAAAGAAGACGGCGGAGCAATCACCGCCATATATAAAATCGACATGCATTGCGAAGGGTGTGCG  
AAAAAGATTAAACGAGCTGTCCGACATGTAAAAGATGTTGAGAGCGTGAAGGCGGATTGTGGAGCGAATAA  
GTTAACTGTGATTGGTAAAATGGATGTTGTTGCCGTAAAACAGAAATTGGAGCTTAATACCAAGAAGAAAGT  
GGAACCTATTTCCCCTCAACCCAAAAAAGATGCCCCGCCGCCGCCGCCGCTCCTGCCGCTGCCGAGAAG  
AAGGCCGATGAGAAAAAGCCTGAAGAGAAGAAAGCTCCTGAAGAAAAACCCAAAGAGAGCACTGTCGTTTT  
GAAGATCCGGCTACATTGTGAAGTTGCATCCAAAAAATCCGCAGAATCATTTTGAAAATCAACGGAGTTCAT  
TCGGTGGATTGGACGGAGTCAAAGATTGTTACCGTTAAAGGAACAATGGATGTGAAGCAACTCGAGCCG  
TATCTCAAAGACAACTCAAAAGAAACGTCGAAATTGTCCCACCCAAAAAGGAAGAACCTGCGGGAGAAAAAG  
AAAAAGGAAGAATCCCCTGCTCCCGCCGCACCGGCT

>trans\_c\_4728 NM\_126741|Arabidopsis thaliana cytochrome c oxidase subunit 3 (AT2G07687)  
mRNA, complete cds

GGGATTGGGGTTTTAGATCCTTGGGAAATCCCTTTTCTTAATACCCTTATTCTCCTTTCATCCGGAGCAGCCGTA  
ACTTGGGCTCATCATGCTATACTCGCGGGGAAGGAAAAACGAGCTGTTTACGCTTTAGTAGCTACCGTTTTACT  
GGCTCTAGTATTACAGGCTTTCAAGGAATGGAATATTATCAAGCACCTTCACTATTCGGATAGTATTTATG  
GTTCTACCTTTTTCTTAGCAACTGGCTTTCATGGTTTTCATGTGATTATAGGTACTCTTTTCTTGATCGTATGTGG  
TATTCGCCAATATCTTGGTCATCTGACCAAGGAGCATCACGTTGGCTTTGAAGCAGCTGCATGGTACTGGCATT  
TTGTAGACGTGGTTTGGTTATTCCTATTTGTCTCTATCTATTGGTGGGGAGGTATATGAAAGAACTTGTTAGTG  
GATTGAGGAATTCAAGCTCGAAGACAAAGAGAATCGGGCTTTTCAAAGAATTACAGCAGCTTTTCTACTCCC  
TTTCATTATTATATACCACAAAGTCTCTCCACTTTCCTACTAAATCTCTCTTTATTCTGGCACATAAATTCAGGG  
ATCGAAGAGATTATGGCAGATTATGTTACCAAGAAATGACCCGAAATTGGATCTTGGTCTATTTGAGATTGT  
TCCTTTTCATCTCCATCAAAGATCTTTTCTTGGCTCTCAGGGGGGGGAATCCGCCCGATCCTCAAAGCCGTTCA  
CACATTTCT

>trans\_c\_4729 XM\_002865457|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata metalloendopeptidase/  
metallopeptidase/ zinc ion binding protein, mRNA

TGGTAGCTACTGTGATGCAGCTGCCAAGCAGTTGGCTTGCTGGATTTCGATACAAAAGTGTGATCAAGATGGT  
GACAACAGACTCCGAGTATGCCATTCTGCTTGTCAGTCATACAATCTAGCTTGTTGGGGCATCACTCGACTGCTC  
TGATCAGACCCTTTTCAGCAGCGAGGAGGAAGGTGAAGGGCAATGTACTGGCTCCGGTGAAATCAAATTGTC  
TTGGTTTAATCGATTGCGGAGTAGCTTATTCGTAAGTAACAGCACCTCGAAAGGAGGGAGGTTTGTAATAAG  
TCTCAGTTGTAGGGTCTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGATTTTGTTATTATCGATCGGGTTTGTAATT  
TACCAAGGGGTCTTAACCTAGGGGGTAGAGTTGGCAATGCAAATGCCTTTAGATTTAGGTCTGGAGTTGTGCT  
CAACCCAAAAATGATTTAAGGAAAAATTGGGTTGAAAGAGTGTCAAGTTTTAGGCTTTCAAAGTGAAAGCTA  
TTTGTAGAGAGAATTTGTAAGTGTATGAAAGCCATGAGAGGTAAAAAAGAAAAAGAAAAAGAAAAAGTGAA

GTCGGAAAAGCTTTGTTGATGTATAACATAAACTGGCCGAAGGCCCTTCAAATTTAGAAAGAAAAAAGG  
AAAAAAAAGCTTCCTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4730 NM\_100146|Arabidopsis thaliana lipase class 3 family protein (AT1G02660) mRNA,  
complete cds

CAGGTCGAACAATCCAAAGAGATCACGACATGAATTCATACCTGAAATCAGTCCGAGGAGTGATTCTGCAAG  
AACTAAACCGTATAAGGAAAGCAAGGAGACAACATCGACGAAAGGTCTGGTGGGCTCTCGTGGCTCCAGGA  
AAAGTTGATTTAGGAATCGTAGTCGACGACCTCCATTTCAATCAATCTCGGGCAGGACCAGTTCAACTTCTC  
TGGGATCCTTCAAACAGGAAGAGAGTCGTTGAGACGGTTCAGCCGACTCGTTGCTTCACAACATATGAATCTG  
CTTGTGGTGCTGTTACTCCCTGCCAGATTGCTATTCTTTGAAGTCAACAGGGTGGTTGGTTAAGACTTACAAAT  
CAAAAGATTATGTTCTGTGTTTCTTCATCTAGTTTCTTGTCATTTTTTTTTTGGTGGAGCTGGATGAATGGCCT  
ATTTGTACAAATGGAGGGTTCAATTGGTTGGCCAAACACTTTAGAAGATTCTTTATTATTGGTTCCAAACAT  
AGCAACATTAACCTATATGTTGCTAATTTAATGCAATGAAGCAAACATCATTTGTCAAAGTCAAATGTTATATA  
AAGAAATGTAAAGTTCTTATACATTGTCAAGGTGTTGTTGGAACCTTCTCTCTGCCTTCAAGAAACAGTTGCTT  
GTACACTACTATTCTTTTGTTCCTTCTAAATCTTCATTGATAACGATCATTTGAACAATAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4731 Novel Gene

ACAAAACAAAACCCCTACTTTCTTCTTCTCCTCTTCTTCCATTTCTCTCCAGATCTCCCAATGGCGAAATC  
CCTCTCCCTTCTCCTCCTACTCCTCTCCATTCTCACCATCTCCGCCTCCGCCTCAACGGCGGCGCTTCCAACTTC  
ATCAAATCCAAGTGCAGCGCCGCTACTTACCCTGACCTTTGCGTCCAATCCCTCTCAAGTTTCGCCTCCACCATC  
CAACGAAACCCCTCGCCAATTAGTCCAAACCGCTCTGGCCGTGAGCCTCTCCGCGCTCAATCCACCCGATCTTT  
CGTCTGGAAACTTACCAAGTTCAGTGGACTTAAACCGAGAGAGCGCGCGGCCTTGAAGGACTGTATGGAAGA  
AGTCGGAGACACCGTAGATCGGCTCAACAAATCGGTGGAGGAACTGAAGCGCGTTAGCGGATCTAAGAAGA  
AGGACTTCCTATGGCACATTAGCAACGTTGAGACTTGGGTGAGTGCTGCTATGACCGACGAGAACACCTGCTC  
CGATGGATTTGCTGGCTCTGCACTGAATGGAAGAATTAAATCTTCGGTTAGGGGTCCGGCCCACGATGTTACT  
CGAGTAATAAGCAATGCGTTGTCTCTGATTAATAAGTATGCTGAGACTCAAAGCTAAAGCTGTGATTTTCAGGT  
TCTTCCAATTTCTACTCTGTTTCTGCGCTTGATGAACAATTTGAAGATGAATTAGATGAACTGTTTTGGGT  
TTTGATGTATATTA

>trans\_c\_4732 Novel Gene

GAAATCTAGGGTTAGGGTAATTAGGGTTGCAATTTTGCCTTCTATCTCTACGGAGAAAATCGACGCGATGAAG  
AGCGAAATTGAAGATGAAAAGTCATCGATTACGGGGTGGTTATTTTTATAATTGCTCTGTAAGATGAATATC  
AATCTGGTTTCGTATTCACTGAGCGTCCCGTTTTTCTTAATTTTGAATCGAAGGGTCTATGGATGGGGCGCCA  
TTCTAATCAATGCGCTTTTGTCTCAAGTTTGCCTTCGGAAATCGTAGTGAAAAGCAGATTGCCGAGCCAAGATC  
CGAATAACTGGTTCGGCTTTTGAATTTTATGTTTTTATACAGGATTTTGCTTGCATTTTTTTAGTTGTTTGATTT  
GTGCGAAGGTCCCAGCAGAGGGGAGGAGAACTCTGAGATTGAGACCCCTCTAAGTTTGAATTAAATCCTTCG  
CAGATTTAGCTGCCGAATCGTAGGACGCCAAATTGTTTTAGGGGGTCTACGTCTTGAACCCCTCGGCAAAAT  
TCGTTTTTTTCCATAATTTCTGAAGTTTATTAGGTTTTATTTCTGTTGAGCGTTGATTACTGGGGGGAGATAT  
GTTTTCTTTATGAGCAGTCTGTTCTGATGACCCAAAATCTTTTTGCTTTTCTCTGTTGGGTTGCTTCGGTTAG  
AACTTTTGAGGAAGAAAATTCGATCTGTATGTGAAGCTGATGGGTGTGTTTTTCAAGTTGAAGACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4733 NM\_001161233|Arabidopsis thaliana ALF4 (ABERRANT LATERAL ROOT FORMATION 4) (ALF4) mRNA, complete cds

ATCCTAGAATTGGTGGAGCTCGTTTTGAGGCCTCCGAAAGGGGGGCCTCCAGTGCTTCCAGAGCAAAGTGAT  
GCGGTTCTTTGCGCCCTCAATCTATACCGTTACGTGCTGATAACCGAGGCAACAGGAAACACAACTATACTG  
GGGTTTTGTTGAAGAGCAATTTGCAGAAATCCTATAACGAATGGCTTCTCCCTCTCCGGACGTTAGTGACGGG  
GATAATGTCGGAGAACAAGACCGATTATGATGAGATTACGGTGGACATAGAGTGTGCCTTAAACCCTGTAGA  
GCTTGTATTATATCGTTGCATCGATCTTGTCTGAAGAGAAGTTGAGATGAAGCTTAAAAATTGGTGGAGATTGG  
TGAGAGAGATGGTGACCAAAAAGTCTTCATTTCTTCTACACAAGATGATTCATGCTTCCAGTCAAAAATGGAAA  
TGCCAAAAGTCTTATGTTTACGTAAGATAATTTACGTAATGAGTCGAGGAAAACAATGGATAGTGCCCTTA  
GAACGTCCGTTTCCCAGTTCTGAAACGTGTTGCTGTTTTATTTATTTATTCAACTACTCTTCTTGAATTGACT  
TTATGAGAAATTAGGAGACATTAATAGTTGGTTGAAAAATTTGAATCAATCACAAATCGACACATAATTTCTA  
ATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4734 NM\_117213|Arabidopsis thaliana EIF3A (EUKARYOTIC TRANSLATION INITIATION FACTOR 3A); translation initiation factor (EIF3A) mRNA, complete cds

CTTCGAGTACGGTGGTGGAGACTAGGATGGAGACGTAGATTATGGCTTAAGTATTTTCCAGATATTCTTATG  
GGTGGGCAACTACGATTTTGCTGGCTTGTAAAGTTGACACATGCCACCTTGTGTCTTTCATACTTGATGATTCTC  
AATTGGTGAAAGATTCTCAACACCTTCCATCTGTATCTTAAATAAAGAACTTACGTGCTGGAGGTTGAGTTAAG  
CAAGCAAAGCCACGAAGGTGACCTCAAGGAGAAGAATCGATTGGCGAGAATGTTGGAGAGTAAGAAAAATAT  
TCCAAGAAAGAGTAATTGGTCTTCGCCGAGAGAAAATCCAGCAGACGTAGAGCTGAGAGAGAAGAACATATCA  
GGCAAATAATTGAGGCTCGGAAAGCAGAAAGGGAGGGTAAGAGGAAGAAAATCTTTTATGTAAGACGTGAA  
GAGGAGAGAATTAGAATATTACGTGAAGAGGAGGAAGCTCGCAAGCGTGAAGAGGCCGAGAGGAGAAAGA  
GGGAAGAAGCTGAACGCAAGGCTAAATTGGATGAAATTGCTGAGAAGCAGAGACAGAGGGAGCGAGAATT  
GGAAGAAAAAGAAAGATTGAGGAAACAAAGTCTTTGGTGCTGCCAGATTAGCTGATGCACCTGCTAGACC  
TGACGTTGCTCCTAGCTCTCGACCTCTGGATTCCGGGACTGCTGCTCCTGCCGCTACTGCAGCTGCTGCACCAT  
CCCCTGCAAAATATATTCCGAAGTTTCGAC

>trans\_c\_4735 NM\_001053599|Oryza sativa Japonica Group Os02g0541300 (Os02g0541300)  
mRNA, partial cds

TCAAACGTGCACCAAAGGTCTCATTTAAGAAGCCCATTGGAAGTGTCAAGTGTGTTCTGGACACAAGTTTGTTGG  
ATGTCCGATGCCTTGTGGTGTTCAGCTTACAAGGTTGGAGCATATAAATGCCCTCTCCAGCAATGTTGAGTATC  
TAGCTTCAAGAGATGCCACAATCATGGGAAGTCGGAATGGCCATGCGCCTATCTTCTTTGGTACACCCTTAAC  
AGAAAAGGCTATAAAGGTTTCCAAAAGGAAGTCCAGAAGTGTCTCAGAAATGCACACTACTTGAAAGACCGG  
CTTCTTGATGCGGGAATTAGTGCGATGCTGAATGAACTCAGCAGTACAGTTGTGTTTGAACGACCCCGAGATG  
AAGAGTTTATTGCAAGGTGGCAGCTAGCTTGTGAAGGAAGTATTGCCCATGTTGTGGTAATGCCAGTGTTAG  
CCAAGAGAAGCTGGACGATTTCTAGCCGAATTGGTCGAGAAACGCTCGACTTGGTACGATGATGAGAACGT  
TCAGCCTCCATGTGTGCGCAGCAGAGTTGGGAAATGAGAGCTGTGCTTGTAAAGTTGCACAGGAGTTGATATGG  
TTTTATGGAAGTTGTTCTCTGTTGTATTAGCTTGTGTTTGCAGTGAACTCTGGATTCACTTGAATTTTGGGTTAT  
AATAGCTGTGTGTTTCAAGGTATGAATGAATGGCTATAGGTGTGTATTCGAGTGATAATGAACAATAATATGTT  
CTCGAGTTCTCGAAAAAAAAA

>trans\_c\_4736 NM\_001059470|Oryza sativa Japonica Group Os04g0450000 (Os04g0450000)  
mRNA, complete cds

ATAGTGATATAGGTTTTCCATTTGTATAAAAATGACCACAAAAGAAACACGGTTTTGCGTATAAACTCCCATT  
GGCTCTGTAGCCTCATACTTCTCCATCTTCATCTTCATCTTCATCACAATATTTACATGTTTTATGTTTT  
ATTTTGTCCATTTAAATGACAGGATCCAAATCCCAATCAGAGTGCTGCATGTGTGGAGATTTTGGTTTCTTTTT  
GAGCTTTTTCTACTGCAAAATCTGCCAATTCAGATCCCAACACAGGTAAGTGTAGCAATTTGTATCCCAAAGCCGA  
TTGTTACCGAATATGCAATTGGTGTCTAACTCAAACCAAGAATCAAACCCCAAATCCCAAATTTCTTCTCCTC  
GCCCATCATCAACAACAACGATCAATTTCCCAATTTTCGATCTCGACTCAACAAACCCATCAAAAAACAGAGTT  
CCTCCTCTCTTGTAAATTTGCCTCCTCCTCCTCCCCCCCCCTCCGCCTCGCCGGAGACTCATTCCCCGACGACGACA  
AACTCCGTCGGACTAGATCGGAGGAGATTTCCACCGGACTGGGATCAAGCGGCCCGTCATCTTTAGGAATA  
AAGTCAGAAGGTACAACTTCTGGACGAGGTTTCCAGCTGAATTAATTTCAAATCATATCTGTGTTCTTTTTTT  
CCTTCTCCTCTTCTTTTTAGGATTACTAAATATTAGTGAAATATAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4737 AF370544|Arabidopsis thaliana cyclin delta-3 (F28A23.80) mRNA, complete cds

AAACTAACGGCTGCGCTTATCCATCGTAATCGGAAAGTTAGCAAAAGAAAAATGAAAATTGGTGGTGGAGTG  
GTCTGTGGAAGTCCACGCGCCGCGCTCTTCCCTCACTTCTTCTCCGCCGTCGTGGAGTCACCGTTCGTTGCTCT  
ACTTCTTCTCTACTGCCGACCATGTATCATTATCAAGGATGTTGCTGCTACTGAACCTCCTCAGCATCTGTTT  
CATTTGCTCAAAATGCTTAAGACTAGAGGTGCATCCATAATTTCTCCTGGAGCCAAGCAAGGGATTATTCCTCT  
CGTTGTTCCACTGGCAAAAAACAGCACAGGTACTATAACTGCACTGCTGCGCTGGCCTACAGCACCTGCTGGG  
ATGGAGATGCCAGTAGTGGACGTCAATAGGAATGGAGTGTGGCTTCTAGCCAAGAACGTTGATCAATTTATTC  
ACAGACTTCTAGTCGAAGAAGATGCCAGAGGAAGTAGAGAGCAAAATGATGAGCTATTTCTGCAGCCGCTG  
ATGCTGGGCAAAAACCTTACGGGAGGGGTGATTTTTCTGAATCTCAGATCACAACTTAGATGGATATCTGCT  
GAAAAAGGTTGGGTTGTTTCCAGATGTCATAGAACGGAATATTACGCCATTTTGAGGAAGGCGACCTTGTT  
TCACCTCTAGTAAGTGGAGAGTTCTATACAAAGAAGGAACACTTCCCAGGATTGCAAGAACATATGTATTTA  
ATGCTGGGGTTTTTGCTG

>trans\_c\_4738 AY106899|Zea mays PCO110557 mRNA sequence

AACGTCGTCGATCTCGTCACTCGCCTCGTTCGGCACACCATTTTTCTCCTTTCGTGATTTCGGTTAGCAGTTCTTC  
AACATGAGGGCTAAGTGAAGAAGAAGAGAATGAGGAGATTGAAGAGGAAGCGCCGAAAGATGAGGCAGA  
GATCCAAGTAGTTTGTGTCTTCTTTAAATAAAAAAAGACAGCCGTTCTTTAGTTTCTACTGATCTAGGACGA  
GTAATAGTTTCATTTCTTGTTTGTGTTGTTGATTTTATCGAGTTTTTTAGTTTCGATGAGCAATTTGTTGAAC  
TTACTTCCCTCTGGGATCTACATTATTGAATTCACTTTCTGGAGTTTCTGAAATATCAGTTGATGTTATGTTGTTT  
GTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAACAAAAA  
AAAAAAAAAATTTAAAAACCCCCAACCCCGGGGGGGGGCCCGGCCCAAATCCCCCAAAGGGGGGGCGAA  
ATACCCCCCCCCCGGGGCCCTTTTTTAAACCCGGGGGGGGGAAAAACCCGGGGTTTCCCAAATTAAATCC  
CTTGAAAAAATCCCCCTTCCCCAGGGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCAACCCCTTCTCCAA  
ATTGGCCACCCCGAAAGGGG

>trans\_c\_4739 Novel Gene

ATTTGCACACGGTGCGGCGGCGTCATCCAACCTAGCTTCGTCTTTCGCCGTTCCGGAGATCCTCAACTCACATT  
CACCATGGGGAAAACACGAGGAATGGGAGCGGGTCGCAAGTTGAAGTCCCACCGTAGAAGACAAAGGTGG  
GCTGACAAAGCATACAAGAAATCCCATCTTGAAACGAGTGGAAGAAACCATTTGCTGGATCTTCCACGCAA  
AAGGCATTGTTCTAGAAAAGATTGGTATTGAGGCTAAGCAGCCTAACTCTGCTATTAGAAAGTGTGCTAGAGT  
TCAGCTTATTAAGAACGGAAAGAAGATTGCTGCCTTGTCCCAAATGATGGTTGTCTTAATTACATTGAAGAAA

ATGACGAGGTTCTCATTGCTGGATTCCGGTCGAAAAGGACATGCTGTTGGTGATATCCCGGAGTCAGATTTAA  
GGTGGTGAAGGTATCAGGTGTATCTCTGCTTCTCTTCAAGGAAAAGAAGGAGAAACCAAGATCTTAAGCT  
CCTCAGTTTTCCAAGATAGATTATGTTGCTATTCCCTCCAATTATCTCCCTGAAGCAGTTAATGAGCAATTGAT  
GCACACTTTCCTCTATCCCTAGTTAAGTTAGATTACTCGGTTGACTGATAGAACTTGTGCACCCAACCTTTTT  
GTTGAGACATGATAAAGCATAACTTTCTTTCGGAACAGAACAGATTCTGTTATGGTTAATTTGAGTGTAAATACA  
TCATCCCTTCCCTTC

>trans\_c\_4740 Novel Gene

TCTTTGTGAAATACTCTGTGCTCGTCCACCACTGGTACACTCCGCAGACAAGAAGGAAGTGTACCTAGCAGAG  
TGGGTACGACAGTGCCACCGTAATAACACAGTGGCTCAAACCTATTGACAAGAACATAAGAAAATGAGATATCA  
CCAGAATGCTTGAGAAAGTTCATAGAGATCGCTGTGAGTTGTGTTGAAGACGTTGGCGTAAAGCGGCCATCA  
ATGAACGACGTGGTGTGGGGATTGGAATTTGCATTGCAATTACAAGAGGCATCAAAGAAGAAGGTAGACGA  
AGATGACGTGGGGAGCGGCAAGAGGGACAGCAGCGAAGAACGGTGGTGGTTGGATGAAACATTGTTTAGT  
AGTACTGGTAGTGGGAGACGCGACTCGGAGTTGGGGGTGAGCAGTTACGTGACAACGAGCAATAGTGATGA  
TTCGAGCTGTACACATACTAAAGGAATGTCCGGTACTGTTTTTCTGAGATCAAGGACCCTGCAGGAAGATGA  
AGGATTTGTGCAGTAAGATTATTTTTTTTATTTACTTTCCCGTAATTCAAATACAAGTTTATGACAACATTAGG  
AAGAAGCAAGTGTCTTAGTTATTAATTACCGATAATTTATAATGTAGGCTTTGATTTAACATGCAATTAGATT  
GATCAGTTTTTTTAATTGTAAATTAATTTTATGCAAATTTATGTATAATATTGTTAGATAGTTTTTGTACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4741 XM\_002329662|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC017),  
mRNA

TTAAGAAGATCAGAAATGGCACCAGTAGGGTTGCCTCCAGGGTTCAGGTTCCATCCCACCGACGAAGAGCT  
CGTCAATTACTATCTCAAGAGGAAGATCAGTGGTCAGGAAATCGAGCTTGATATCATTCTGAAGTGGATCTC  
TACAAATGCGAGCCCTGGGAATTATCAGAAAAGTCGTTTCTTCCAAGTAGAGATCCAGAATGGTATTTCTTTG  
GGCCAAGAGACAGAAAATATCCAAATGGGTTTCAGAACAAACAGAGCCACAAGAGCAGGGTACTGGAAATCC  
ACCGGAAAAGACAGGAGAGTGAGTTCACAAAACCGAGCCATTGGGATGAAGAAGACGCTTGTTTACTACAGA  
GGTCGAGCCCCTCAAGGGATTAGGACCGACTGGGTCATGCATGAATATCGCCTCGATGACAAGGATTGTGAA  
GACAGCTCTGGGATTCAGGATTCTTACGCCTTGTGTAGAGTATTCAAGAAAAATGGAATATGTTCAGAAGTGG  
AAGAGCTATTAGTAGGTGGGCAAAGCAGCAGCAGCAGCTTGTCATTTATGGAGAACTCAAACCAACATCAC  
AACTTTAGTCAATGATTACGAACTCTATCACCTGATATTCTGATGGCAGCTTCATCTTCTTGTGTGGAAGAA  
GAAGAAAGGATGATTCATGGATGCAATTCATTACAGAAGATGCATGGTGTGCTTCCAATTCATCAGCCATCGG  
CCTCGACGACCTCTCTCNACTGACTT

>trans\_c\_4742 XM\_002864486|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

GCTCATTCTTTTTAATTTTCTTCGCGATGAACTGAACGAAACGAACTTTCCCAAAGCACAAGCAAGAAACTTCT  
CGCCGATTCCCAGACAGCGGCAGTGGAGGCAGTGTTTTATTGAAGTGTTGATCCACTAGTTCTTGTTTCAAGT  
CAACCATGGCAATGTATATCCGAATCAAGCGCCATAAGACAACCTACTTTATCCAGTGTGATCCAATTGAGAC  
AACTTTAAATATCAAGCAAAAATTAGAGTCCCTTATTGACCAACCAGTAGTTGACCAGCGCTTGATCCTGATGG  
GGAGTGGGGAAGTATTGGAGGATTCAAAGACACTGGCTGATCAGAAGGTTGAAAATGATGCAGTTGTGGCT  
CTAACGTTGCGAAAAGAAGATAACGACTTCGAGGAAATCAACATTGTCCATCCAAACGATTTCTACCAATCTC  
GTGATGCCGATTCTGGCAATTGGTAAGGACTGAAAAATTTGCTTCAACTGTGGGTAGTATATGATGTTTACTC  
ATCAATTTACTGTTTAAACCACTTTTCCATCTGTTGAGTGGAATGAAAATGATGAAAAAGAAAGTATACTCTA  
TGCATGATTGGATATAGATTACTCCATGCTTCTATTTGTTACCCTTTTAAGTGATATCCTCCAAGAGTTGCACT

AATGATTGAACTCATCCATGTATTGTTGTTACAACACTACTAAATATGAGTTGAGGATTTCCAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4743 NM\_001067074|Oryza sativa Japonica Group Os07g0661600 (Os07g0661600)  
mRNA, complete cds

TGCTCTTCTGACGAATTAATGTTTCAGTTCTTTCTTTAACCGTTTGGGATGATTGTTTTCTTTAAAGAAAATTTA  
TTTCTCACTAGACTGTATTCTTATTTGACTGCTTGCTTTATATATCGACTTCATATAATTATATTGTTCTATTAAAT  
GTACTTCAGGCGAACACGTTCTCAGTCATGCCCCTTCTGTCGTGACAGTCTTAAGAGAGTAAATTCTGGTGATC  
TCTGGGTATTTACTGATAACAGGGACATTGTGGACATGGCAACGGTGACTCGAGAGAATCTGAAAAGGCTTTT  
CAAGTACATAGATAAATTGCCTACTATTGTTCCAGACTCCCTTTTCGACGCCTATGATACACACCTAAGATAAG  
TGATTGGTACATACATAATCTAATGTCAATCCTTAAGTAGTTTCTCTCAAATGAACAGTCTTTTTGTTATGATA  
TGGCATGACAAAACGACCGAAATTCATTGGCTAAAAATTAGTAAGAGTTAGAGAAGACTTGCAACTATTTCT  
TCCCATTCCATTTCTGAAGGGAGAAAAAAACCAGTCTTTGAGTTATTGTAGACTGGTATTGGGTGGGAAAGT  
TGATATGGTTTGATTTAAAGTCTTCATAAAAAATTGATTTAACACATTTGTATATGTTTGTACATTCTTGATGTT  
ATCTATTAAGCAGCTTTGAATGCTTAATTTTTCTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4744 Novel Gene

CATTACCAGGCCTTCCTATCCCCTTCCCTTCCCCCTCCCCATTCCCATTTTGGCGGCCGCATGAAGTACAA  
TCCGAGGGTTTCCAGTCCCGTCGCAAGAGCCGCAAGGCTCATTTTTCGGCTCCGTCCAGCGTTCGTGGGTT  
ATCATGAGTGCTCCTCTCTCGACTGACCTCCGGTCAAAGTACAACGTACGATCTATGCCGATTCGGAAGGATG  
ACGAGGTCCAAGTCGTCCGTGGAACCTACAAGGGACGTGAGGGCAAGGTAGTGCAAGGTGTATCGTAGGAAG  
TGGATTATCCACATCGAGCGCATTACAAGGGAAAAAGTTAACGGTTCCTGTCAACGTGCGCATCAAACCT  
CGAAGGTCGTGATTACGAAGCTCAGGTTGGACAAGGACCGTAAGTCACTTCTGGATCGTAAAGGCAAGGGCC  
GCGCCGCCGCCGACAAGGATAAGGGTACCAAATTCACCGCCGAGGATATCATGCAGAGCGTCGATTAATTTT  
GAAAATGGTGATGTTTAATTTGATAGAAGTGTATTTTCTTCATAGCTATCTATTGTGTTTTGTGTTCTTAAGA  
TACTAGGAAAACTTCCGACATGTGGCTATAATTGTCGACTCTAGAGGCCTTAATTTTTATGGTATTTTTAA  
ATCACATTTTGTATTCCAATGAGAGCTACTCTTGATGTTTGATTCAAAGTCTGCTTGCCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4745 NM\_001057591|Oryza sativa Japonica Group Os03g0711400 (Os03g0711400)  
mRNA, complete cds

AGATCCAGGAGAGGAGAAGACTACGAGCCCTCCTTCGTTGTTATTATTTTCTTTCTTTTTTTTTCTTTCCAC  
AAACCATCATCTTACGCTCTCTCAATCTCCCATTCCCAATTCATTGACCCCTTCTATTCATTTACGCTTTGTT  
TTCTTATGCTGGAGTGCTGATTGTGGCTGCAGTTCCGGGATTTTGTGATTTCTTATATTCTGATCGGATCTGA  
GAATTGATTGGGTAAAGAAGAAGATGCTGACGAAGTTTGAAACCAAGAGTAATAGAGTCAAAGGGTTGAGT  
TTCCATAGTAAGAGGCCATGGATCCTTGCAAGTCTTCACAGCGGAGTGATCCAGCTATGGGATTACCGGATGG  
GCACGCTTATTGATAGATTTGATGAGCATGAAGGGCTGTTTCGTGGCATTCACTTTCACAAGTCTCAGCCTCTT  
TTTGTGTCTGGAGGGGATGATTATAAGATAAAAGTGTGGAAGTATAAGACTCATAGATGTCTATTTACTCTTCT  
TGGACACCTGGATTATATACGTAAGTGTGCAATTTACCATGAGTATCCATGGATTGTGAGTGCTAGTGATGATC  
AACTATTCGTATATGGAAGTGGCAATCACGTACATGTATCTCCGTTTGGACGGGCCACAATCACTATGTAATG  
TGTGCTTCATTTACCCTAAGGAAGATCTTGTTGTTCTCAGCTTCCCTTGATCAGACCGTTCGTGTTNGGACAT  
TGGTGCCT

[illegible]

ACTTTTGTTC AATGCCAAAGAAAGAGAATCTCTGTTCTCTCTTCTCTTCTCTTCTCTTCTGCTTCTCACCGTAGGA  
TTCTTCGAGTTCTTTCGAAAATGGCGGCTCCAACAAGATCGGAGGCTCTTTCGCTTCTCCGCTCTCTGATCCGT  
ACATCCCGTCAGTTCTGCGATTACAACATCAGAGAGTACGCCAAACGACGCGTCGTCGATGGCTTCCGCCATA  
ACCGAAACCTTTCGACCCTTCATCCATTTCTCCGCCTACGCCGATGGAAAGGCTCAGCTTGAAGTTGCTAAA  
AGACAGTCAGCCATTTACTCCCTCTATGCGCCGAAGGTAAAGAGCATCATGGAGGCTCATCGCATAAACTGAC  
AGAAGCTCTTTTGCCTTAATTTATTGTAATTCTAATTCTATTATGATAGATTTTCGTGAGTTAGGGTTTTATTCTGC  
TTCACGGATCATACCTTCTCATACCTTTTCTACTAAGAATTTAATAAAATCGCTTGTTCTCTGGTTTTTGCTTGTT  
GTTTGTGCAATTAATCCTTTATTGTGGGATGGAATATGTAATATTTGGTGATGATGAACATGATTAGACTGATA  
TTCTCATTGGTTTTGATTTGTTGGATATGATCTACTTACCTTTTTTTGTATGGATAATATCCATTGTAACAACAGA  
TTTTAGTCTTGAAATCTTGTCGGATTTATTCAGGTAGGAGTTGCTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

ACGGTAAGCATTCTTCATAGATTCAATTGCAAATTTTCGTTCTTGCGCCGTCGCATTTCATAAGTTTAAACCTTT  
TCTTCAAATTTTGGGGTTCGATCTCTCCTATTTTCGCATAAAGTTCCTTCATGGAAATTTGTTTCTTCGGAAAGTCG  
TTTCCATGATTTTATTTGTGCGTACAGCAAAATCATCCTTTCTGCTTGAGCCTTCTCTTTCTCTTTCCACGGAGA  
TGTGCTCCAATGTAAGTGGATTATATCAATTTCAATTCACCCCATATTCTTTCCATTATTTTGCTGATTGGTTTAT  
AATTGCTCTATTTCCATCTGAAATTTGTTTCTTGTCATGGTTAATCTCCCATGATTCCTTGCTTCTAATCGAAGT  
AGTTTAAATGAATTTTATTCGACGTTTCCTTGTTGTGAATTGGATTTTACAAGAGGAAACCATCGTTTTTCAATG  
GATCTGAATTCCTGCGGATGTAAATTTCTGGTTCGTTTCATGATGCAAGTTAATAGAAGCCATCCATTTGAT  
GGGATTTCTTATGTATGTAGATACGTTATGATGGTTTCCTGTTTTTCATATTCTATTCAACATATGAAGTTTTCTT  
AAATTGTTATGAACTGAAGATCCAGAGGTAGTAATTCGTAATTTGTAATTCGATTTTCAATATGTGAAATGGT  
TTTTACATAATCATATATTGTATGAAATTTCAAAAAGAAATGAGGGTTTTACTTTAAGAGCCAAATGAAACG

ATACAGGCAGCAACATAATCCAATGGCCTGTGGAAGAGGTGGAAAGTTTGAGACTGGGGAGCAATGAATTTA  
ATGACGTGCTCCTCGTACCTGGTTCTGTATGGAAGTCTGAGGCTGCTACACAGTTGGATATATTGGC  
GGAGTTTGAAGTGGAAAGTCTCGGGTCAGAGAATGGTACCGTCTCCGAGGAAGGCTGTGGTGGGGGTGCGG

CGGAGAGAAGTAGTTTAGGACCATTGGTGTGTTGGTTTTGGCTCATCAATCGCTTCCGAGTTTACTCCTATT  
TACTTCAATGTTGCTAATTCAAGTAAAGGCAGTGGGGAAGCTTACTTTTGTGCCGACGAGACAAGGTCATCAA  
AAGCTCCTGATGTTTTCAAACAAGTTTATGGAAGCAAAATTCCTGTTTTAGAGGGTGAAAATTACTCCATGAGA  
GTGTTGGTGGATCACTCAATTGTGGAGAGTTTTGGACAAGGTGGGAGAAGAGTGATAACATCACGAATTTAT  
CCAACAGAAGCAATTTATGGTGCAGCCAAGCTTTTCTTTTCAACAATGGCACATCAGCAAATGTAAAGGCCA  
CTGTCAAAGTATGGCAGCTCAATTCTGCCTTCATTCAACCATATTTTTGAGTCCAAACTGTCTGAATAATCATT  
TTCAAGTCTCATATTTGAGATTTACCTTTTCTTTTATTAGCCATTGCTTGAGTTGTAGCTTTTGGCTAATCTG  
TATCAATTATTGTTTCT

>trans\_c\_4750 HM369802|Vitis vinifera cultivar PN40024 chloride channel ClC4 mRNA, complete  
cds

TCATGGACATCGTTCAGTTGCTATCATTGGCCTTCTTGGTGGATTCTTGGAAGCCTTACAATCATCTTCTCC  
ACAAAGTCCTCAGAGTTTACAACCTCATCAATCAGAAAGGAAGAATGCACAACTATTACTAGCCTTAGGAGT  
ATCACTTTTCACTTCAATTTGTCAATACAGTTTGCCATACCTTGTTCAAGTGCACCTCCCTGCAACCTTCTCTTCCA  
GATTCAGCTTGCCCTACCAATGGCCGCTCCGGCAACTTCAAGCAATTCAACTGTCCTAAAGGCCATTACAATGA  
TCTCGCTACCTTCTTCTCACCACCAACGACGACGCCGTTGAAACATCTTCTCCATCAACACTCCAGCCGAGTA  
TCAGCCTCTTTCCTTGTCAATTTCTTCTCTTTACTGTATATTAGGATTAATCACCTTCGGTATCGCCGTCCCTT  
CCGGTCTTTTCTTCCGATCATCTTGATGGGCTCTGGTTATGGCCGCCTTATCGGCCTCCTTATGCGATCCTACA  
CCAATCTCGATCAAGGACTCTTAGCTGTTCTTGGTGCTGCTTCTTAATGGCCGGCTCCATGCGAATGACCGTT  
TCTCTTGTGTCATATTCCTCGAACTACCAACAATCTCCTTCTCCTTCCGATCACCATGATTGTTCTTCTAATTG  
CAAAAACCGTCGGAGACAGTTTAAATCCTAGCATTTATGATATCATTCTCCACCTGAAAGGACTTCCATTTCTC

>trans\_c\_4751 NM\_001050989|Oryza sativa Japonica Group Os01g0783500 (Os01g0783500)  
mRNA, complete cds

CCTAAAGATTTTGGAAATGATTCTCAATTATTGTTGAACTACAAACCTTTGATAATAACTCCAGTAGATACAAA  
AACAGCAAGTGTAATGGTCATTGTCAATCAGCCGTTTCAATGGAGGTTTCTTACTGCAATGAGGACGTTTCA  
GTGAACAATCTCAGAGTTGCAAGAGACAATTCAGAAGATACAGATATGATTAGTTGTGAGACGAGTTCTCTTG  
CCCAAGACGCCAATAATGTTCTGTCAATGGACACATACATGGAGATGAAACCCACACATCTGCTGCTGAAA  
CGCACAAGATGAATTCAGGATCACCTGTCTCAGCTATAAGTTTGAAGATGAGGAACGAACCTAGTGGAGTT  
GATGAGTGATGTTTCGCTCTTGAATTGAGATTGTCTAGTCCCCCTCGTGCCCATTCATAGATCAACCAGTCAT  
ATCCTTGAAACGAGGTTTGAAGCTGGTAATTTTTTTTTTCTTTCTTTTTTGTCTGAGGTTTCAGTATTAGCATAAA  
AGACCTCGGTGTTGATTAGAAATTGTGAAAATCCGTAATCATTAAAGTATAAAAAATTTTGGTTCCCGCTACTC  
TTTATGCAATAGGGGGATGAGGGTGTGATTACAGATTCTGGATAACTTGTTTTATAGTTCAATAGAGATT  
AGGTTTCATAGTTTCTTCTAACATAAATTAATAAACTGATATCTAAATGTTGACCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4752 Novel Gene

AATGGACGGCGGTGTAGACCTACGCTGGAATCCCAATCCGACTTCCGATATCAATGTCGTCTTGGTTTCGTCT  
CCTACGATTCAACGAAGGTTGAATTCTAGGGCTTTCTCTGGGTGAGCTCTGTCAATCTCTGTATCGTATTTACCT  
GGAAAGGAGCGACGGGTATACCATGCATTCAAATATGGCTTGCTTCTGGCTGCATAGGACCATGTTGAATGAT  
TATGGCTGTGAAAGAAGAATTCACAGTTGAAATTCCTGCACATGAAGTTGAAAAGCTGTAATCACATTTTCAT  
CTCATGACGACAACGTTGCGGCCCCCATTCACAAGCCAAATGAGATTCTCATTGTTGCCAGGTGGAATCTTGTT  
AACAACATAATTATTTTCACTTTCCTGTCAATATGCCACTGATCAATAGATTGCAATTATATTTCTATGGCCA  
ATCATTGATATCCTCCTTCCACTTTTTTATGCCTCCTAAACATAAGCAATATCCTATTGGATTCATAAGGATGT



TTCTTTAGTAAACTGATGTCATTTTCTTGTTTTGAAACTGTGGCTCTGATGTAACTACTCTCCTATTAAATTAT  
TTGATTAATTGTGGCCACCTTATAACATGAATGTGAACAAAGAATGGTGGCCCCCTTATTTGTAAGTGGATAAAG  
AGATCTATTGGCCTTATTAGTCACTGGATAAAGTATATGTCTTTTGCTTTGCCCCAAAAAATAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_4753 Novel Gene

ACCCCTTCCCTCTCGACTCTCAACCCCCCCCCCTTCTCTGAGTGCCGCCGATAATTCTATATCTTCGTTTCTCT  
TTTGTCTTTTCGATCTCGATCCGACGGTCCACAATGAACCTTCCTTCTCCTGCTTCTTTCTGTGGTTTTAGATCC  
CCATACCTCCAGATCTACCATCTCTCTGCTCTGATCTCTTCTCGGGAACAGTCGCCGCGCAATGGAGATAG  
CCAATGCTTCATTAGGTGTCACGCTCGGTGATGGCTCACTGGCATGCGCCAGTAATTGTTAGCTGCTTTACTA  
GCTTCGGCTCTGGTCAACACCCAGCGCCTGGCTCAGGATTCTCTCAGTGCATTTCTGATCAATCCTGAGATGAA  
AGGAGATAGTCACACCCTGTGCCATCGTCCGACCGCTTGATGCTGGAGAAGATGGTGATGATGACGATGA  
AGGTGATGGGGATGGCGACTTGAGTGAAGGTGAAGGTGAAGAGGATTTATCATCTGAAGATGGAGATGACT  
ACACCAACAACCTCAACGATAATAACAAAAATACTAATTCGAAGAAGAATCCAGAGAGTGGAGCTGGTGGGG  
CGGAAGAGAATGGAGAGGAAGAAGAAGAGTTTGATGGGGAGGAGGATCAAGATGATGATGGTGATGATGA  
TGGTGATGACGATGATGGCGATGAGGATGAGGATGACGACGATGGTGATGAGGATGAAGATGATGATGGT  
GGAGAGGATGAAGATGAAGT

>trans\_c\_4754 Novel Gene

TCAGCTTGTTGGTGGGGAAAGGCTTATTGTTTTCACTACTAATTATGTAGAGAACTTGATCCAGCACTTATCAG  
AACTGGTCGGATGGATAAACATATTGAGCTTTCTTATTGTAGCTTTGAGTCATTTCTAGTGCTGGCGAAGAATT  
ACTTGAATCTCGAACTCATCCGCTATTTGATCAAATCAAAGAACTGATTGAAGATGTCAATATCACACCTGCT  
GATGTTGCAGAGAACCTCATGCCAAGTCTCCAAAAGATGACCTTGAGAAACGTATTCACAAATTGATTCAA  
CTTTGCAAGAGGCAAAGGAAGCAGCAATAGTTGAGGAATCTCAAGAAGCAAATACAGCGGAATCAACCACAA  
CCTATCTTCAGTCACAACTGAAGGTGAAGGCTCATCTTCTAGTTGAATTTAGCACTTTCTGCTTATTGCTTGTT  
AGGCTCACCTTCTAGTTGAATTTAGCACTTTCTGCTTAGTTCTTGTTTAGCACATCTTCTAGTTGAATTTAGCACT  
TCCTTTTATGATGGCTGATAATTAATCAATGCTACGTGACATATTTAGCTCTTCTGTCTAAAAATGGTATAG  
AATTCTCTTAGTTAATAAAATGTTCAAATTGTTAGTTGATATAACATTTTTCGGTAGTATGGCTATGTAGTTAAA  
GACATCTCTTCTTCTATTACAAGTTTGTTAAACAATCATAGAACTGAATCAACTTCGTTTTCAATTTGATTTG  
ATGCT

>trans\_c\_4755 AY220481|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 induced kinase 1 (ACIK1) mRNA, complete  
cds

TTTTTTTTTTTTTGGTGCACTTCTTGATTCTTTAGTTGTTCAAATTAATAATAGTAGTAGTAATAACGATAGT  
GTGTAGATTATAGAGAAGAAAGAAAAAAGAAAGAAAGAGAGAAGGAATGGCGGTGAAGAAAATGAAGTG  
GAGATCCATATTCTCCAGCTGCTGCGAGGTGGAGTCCAGTCGTCGGAGGTGATGAAAGTAGTGGCCGCCAA  
TGATAAGCCTAGTTCCTTCCAGAGGATTTCCAAAATCGATTTCACTAACCTAACTCAACCATCTCCGAGGATCT  
TTCAATCTCTTTCGCCGATCTGACATCCACGTCTTCACCCTCGCCGAGTTGAAGCTCATCTCTCAGGCCTTCTC  
TTCCTCAAACCTCCTTGGAGAGGGTGGCTTCGGCCCCGTCTACAAAGGCTTCTCGATGACAATCTCAGGCCTG  
GCTTACTCCCTCAGCCCGTCGCCATTAACTCCTCGATTTGGATGGAACCCAAGGCCACAGGGAGTGGCTGGT  
ACGCTACCCTACTTCTATTCCAATTCAATCCTTTCAATTCCATTCTTTCTCTTTTTTAAATCAATTCAATTCCTA  
TTCAATCCTCAATGTCAGACGGAGGTCATTTTCTAGGGCACTTAAGCACGCCCATCTTGTCAGCTAATTGG  
ATATTGCTGCGAAGACGAACATAGGATGCTTGTGTATGAGTATATGCCAGAGGAAGCTTGAGAATCAACT  
TTTCAAAAGT

>trans\_c\_4756 XM\_002882496|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SET domain-containing protein, mRNA

AAAAATGAAAGGTAACATATTCTTCCTGGATATTTGATTTTCAGGTATTCAATATTGAAACTTTCAAGTGGTC  
GTTTGGGATTCTTTCTCCCGCTTGGTTTCGGTTACCTCTATGGATGGAAAGGTTGCATTGGTTCCCTGGGCTG  
ATATGCTGAATCATAACTGTGAAGTGGAACTTTTTGGATTATGATAAAGCATCCCAAGGTGTTGCTTTACA  
ACAGATCGAGCATACCAACCAGGTGAGCAGGTGTTCAATTCATATGGCAAGAAATCTAATGGGGAGTTGTTGT  
TGTCATATGGCTTTGTTCCAAAGGAGGGAAGCAATCCTAGCGATTCTGTTGAGTTGTTACTCTCCCTAAAAAA  
TCTGATAAATGTTATAAGGAGAAGTTGGAAGCACTGAAAAAGCATGGATTAAGGGCCTAAATTTTCATGGCA  
GATCCCAGTGTTTTCTATCCAAATCACTGGCTGGCCTTTAGAATTGAAAGCATTTGCTTATTTAGCTGTTAGTC  
CGCCAAGTTTGAGCAATCAGTTTGACGAGATGGCTGCTGCAACATCCAATAAATCAACAGCAAAAAAGGATT  
AAGTTACCCTGATATAGAGGAGGAAGCGATGCAGTTCATATTAGATAGCTGTGAACTAGCATATCAAATAT  
AACAAATTTTACAGGCAAGTGGATCCATGGAATTTGGAATGTGACGTTGCCAAAAACAACCTCAACCGTAAAA  
TATTTTGAACAG

>trans\_c\_4757 AM183258|Populus alba x Populus tremula mRNA for xylan 1,4-beta-xylosidase (BXL3 gene), cultivar 717 1B4

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGACACCCAACTCACTGAGTCAGTTCCGAGTTTTATATGCTAACTTATCA  
AAAACACATCTTGTAGATAAAAAAAAAAAGCAAGAGGGTCTAATCAGTGGACCAATAATCTAAGGCGAGC  
ATTTTGTGTAAGCCACATTGTGAAGAAAGAGAAGCATATAGCATTATATGATACCTTTCCAATGGCTTCAAA  
CAGAGAAGCATTGAAGGAAGCCGCCGTCAAGATGACCTGAGGGAAGCTGGTGGCACCTGGAACCACATTTG  
AAAATTTCTGTTCTGGACCGACGTAAGAGACACCGTGCAAAGCCTCCGACCACCATTCTACTTTGGAATCCCA  
AGCCGGGTACATTTCTAGCATTGTTGATTAGAAACCCAATCTTCTCTGCAGTGTCAGCCGTTACCAAATC  
CTCCACTCTCGCTCAAACCCGAGTGATGAATCGCAGAAGGCGAACCCGGACACGGATGGATTGGTTCCGGC  
ATCGCAGGCAAACGCGGTGGGAGACTGGGCAGAGGTAGTGGCGCAGAAAGAGAGAGAGAGAAGGAAAAA  
GAAGAAGAAGAAGAAGGAGAATGTAAAAAGAGAGAGGAGGGTTTTTGGTGGTGTGGTTGTACTTCTTAGAA  
ATGGGGAGGATGCCATGGCGAGCTGAATGGCTGCCATGGAATGAGTGGGGAAGAAGTTTAGTGAAAGAG  
AAGAAGAGAAAAGGGTATATGTTGT

>trans\_c\_4758 Novel Gene

TGTATGAGCCATGGCTTCCACTACATCCATTTCTCTATCTCTACCAATTTCCCTCTCCTCTTCCAACCTTCTCCTA  
CTCTCCGTTCTTCTCATCTCTCCGTTCCCTTCTCCATCGCTCTCTTGGCCGCCAACACTTCCCTTCTCAAT  
CCTCTCCGCCAAAATCGTCAAAAACAACCTCTCATTTTCGAGGATCCATGCCGCCACATCTGAACAACTTTAGC  
CTCAGATTCCGCCGCACTGGTGGCCGAGAAATCGCAGGACATAGTAGGATCCACCAATGACGACGGCGTTTC  
CACAATAATCTCTGTTCTTCTTTATCGCTTTCATCGGTCTATCTATTCTCACAATCGGGGTGATCTACATTGGT  
GTAACGGACTTCTTGCAAGAAAGAGAGAAGGAGAAGTTTGAGAAAGAGGAAGCGGGGAAGAAGAAGAAGA  
GTGGGAAAAAGAAGAAGGTTAGAGCTAGAGACGGACCGAGAGGGTTTGGACAAAAGGTTGAAGAAGAAGA  
AGAAGATGATGAAATTGAAGCAAATCTGGACATTCTGCTATTTGGTACTGTCCAATTTACCTATAAATTTAG  
ATGAATTTTGCTCTCGATCAATTTTCTCATGAGTTTGTGTTCTTCTATCGTTAGCTGAAATGTTTTGATGATTC  
TGTTTAGTGAAATTTGTTTCTTGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_4759 NM\_112452|Arabidopsis thaliana phosphatidic acid phosphatase-related / PAP2-related (AT3G15820) mRNA, complete cds

ACCTTTTTGTCACAAACAATTTCTCAGATCTCTAAAATCTCCCATACACTTCCTCCTCGAAACCTCCGCCACCGAC  
CTCCGCTTTATTAACCTCTCCGATCCTCCTCCAATGCGCCTCTACCCATCTCTGATGGCATTGACGGTTCT  
GCATCTCAACCAACAATAATCTTCGGCATAGAAACAGCAAAGGAAACGGCCACGGCAACGACGGCGGAGGA  
GGAAGGAAGATGGGGATTAAGGATTGGAACGGTGGGGATGGCGGGGGATATTGTTACAAAGGAACAGGGA  
TAGGGAAGGCGTCATTTATGACATGGAGGGTGGAGGATGTGGTATACGTAGCGAAGAATCATTGGATACCGT  
GTATTTTCGGTTTGGGTATGCTATTCTTTATCCACGTGGAGTATACGCTCCGGATGGTTCCGGCGGCTTCTCCG  
CCGTTTCGATTTAGGGTTTGTGATAACGCGGTCACTTCATGGCGTGCTGTCTCGTGGCCAGAGCTTAATACTCT  
GCTCGCGCTCTCAATACGGTGTTCTGGTAATGCAAACAAGCTACATCTTATGGACTTGGCTCATCGAAGGG  
AGACTAAGGCCTACTCTTGACGTGTGTTCACTTCACTTGCCGTGGCATTCTTGGCTACTCCACCAACTCCA  
CTTCTCAGGGATTTTGGGATCGGAAATGGATTCCCGGTTGGAAACATATCGTTCTTCTTGTCTTCTCGGG  
TCCTGTGGGCCGG

>trans\_c\_4760 Novel Gene

TCAAATAACTGGATTCAAGACGGTATATCAAAGAAATGCAGATAAAGATGCCATTCGTTGGATTCCAAGGAA  
AGAGATGGTACGGTTTTCCACCAGGTACCCTCTTATTTACTGAAGGGAGAAGCTAATAACTTGCCTGAACATT  
GTTGGGATCTTGATCCGGCAGCTACTCCTGACGAACTGCTCCACACTGCAACAGAAAATGAAGGGTTGACTGA  
AACCCAGTTGAGCTAAGCAGGAGAAAGAAGATGATAATGGATTGGAGTCAATCTAAGCAGTCTTAACCAAAG  
TTAGGTCTAACTGTACAAATATGTCTCAAGAGTTTGGCCAAATGCCATTACAGACAAGACGAGAAATCTACAG  
TTGATTTGGATAATGCTCGCTTCTACGACAACGAATTTAGCTTCAAGTAAATTTCACTTTTACGAAAGGACTATC  
TCTTATCTGGACTTAATCTTTAAAGGAGCACTTGAAAATTTTTCGTTGGCGAGCAACTTTGAGGCTTATTATCCT  
GAACTGCAGCACAACAAATACTATTATGCTACGTTCCCTGCCTTGTTAATCAGAAGAGCTTTGTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTTCTTTTTTCCAGATTAGTTTCTTACTTTGTTCTAATGGAAAATGATCAAAAACCTGGATGTTTAA  
TCGCTTGATTTTGTGTAAAATTTGAAGCTTCAATGCTTTGAGGCCTCATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_4761 DQ074477|Malus x domestica MYBR6 mRNA, complete cds

GTCCGATTGGCAGTGATTTGTGTAATTTGGTTCAAACGAGGGGTGTGGTTGAATTATTATGACAGATGATAAA  
TTCATAGTGTCCCTCCATTCTCAATTTCCCACTTTTTCTAAACCCATTTCTCTTATTCTTCTCTATCATTT  
CTTTGTTCTCCCAAGATTCTGCTACTTTGATGACGACGTGACCCCTCAATTTCTCTCTTCCAAATAATTTATC  
CGATCTTCCCTTCGATCAGCACCGCGCCCACTCGTAAATTGCCGACGACAATCTGAGCCACAGAAAAATGGTTT  
AAGCCCTGGCCTTTTTTTTTCTCTTGGAAGTTCAACCAACTGCCGGATTCTATTGTTGTTCCCTATTTCTTGTA  
AGTTCAAAATTTGTTGCAGTGTGCGGCTGGATTTTGCAAATGGGTGCCCTAAGCAGAAATGGACAGCTGAA  
GAAGAAGCTGCCCTTAAGGCAGGAGTGATCAAGCATGGAGCAGGAAAATGGCGCACAATACTCACAGATCCT  
GAATTCAGCTCAATTTTGCATCAACGCTCAAATGTGGATCTCAAGGATAAGTGGAGAAATATAAATGTTACTG  
CAATATGGGGGTCTAGGCAAAAGGCTAAGCTCGCACTTAAGAAGAATTCTATGGCCATAAAACATCATGATA  
GTCCTGTGCTGTAAAGCACTGTGCTCCGAATGAGGAGATTGTGACGCTAAGCCGCTTGGCATTTCAAATGG  
ACAAGTCGC

>trans\_c\_4762 AF086839|Populus tremula x Populus tremuloides defender against apoptotic death  
1 homolog (DAD-1) mRNA, complete cds

ATTTATGAATGTAATGTATAAGTAATTAGGGCTGGGTTTTAATAAAAGGGTACAAAAGACTTTTCACCTTCCAT  
TTCCTTAGGATTTTACGTTTAGACGAGAAATCTTCATTTGTTCTTCTCGTTGCTTGAGATTACAGAGCTCCAT  
ACTTCTCAGCCATGGCGAGATCCACGAGCAAGGACGCGCAAGCTCTTTTCCAATCGCTTTGTTACAGCTTATGCC  
GCCACTCCAACAACTCTCAAGATCATTGATCTTTATGTGATTTATGCTGTGTTACCGCTCTGATCCAGGTAGCA

TACATAGCAATTGTAGGATCGTTCCTTCAACTCTTCTCTCAGGTGTTCTTCTTGATCGGGACAGCTGTC  
CTTGCTGTTTGTCTCCGGATCCAAGTTAATAAAGAAAACAAGGAATTCAAGGATTTGGCACCCGAGCGAGCTT  
TTGCAGATTTCTGCTGTGCAACTTGGTTCTTCAATTTGGTGATTATCAACTTCCTTGGTTAAATACCTCATTTTG  
GGTCTACTTCTTTCTTGTTCCTTTGGAGAATTTATTTTCAGCCAGGAAATAGCTTATGCTAGAAATTCCTCA  
TCAAACCTAGCATTTTAGAAAGAGGAAAAGAGAAAATTTCTACATCTTAGTTAATGGCGTTCTGAGTTATTTT  
CTACGGCATGTTTTCCAGTAAATCAAATACGTCAACAGTTTTCTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_4763 XM\_002889463|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L23, mRNA

GGGAGAGAAGCCAAAATCCATCGACAATGTCTGAAGCGAGGAAGGGGAGGATCCGCTGGGAATAAGTTTCGT  
ATGTCACTGGGTCTTCCAGTGGCTGCTACTGTCAACTGTGCAGACAACACGGGAGCTAAGAATCTCTACATCA  
TTTCCGTGAAAGGGATCAAGGGTCGTCTTAATAGGTTACCATCCGCATGTGTTGGTGATATGGTTATGGCTAC  
TGTCAAGAAAAGGCAAGCCTGATCTCAGGAAGAAGGTCTTGCCTGCTGTTATTGTTAGGCAGCGCAAGCCATG  
GCGCCGAAAGGATGGCGTCTTCATGTATTTGAAGATAATGCTGGTGTTCGTCAATCCCAAGGGCGAAATG  
AAAGGTTCAAGCAATTACTGGCCCCATCGGAAAGGAATGTGCTGATCTCTGGCCGAGGATTGCAAGTGCAGCG  
AATGCCATCGCGTGAGAGTCAAAGCCATTATAGTGTGTCATGCAATGTTTTAGATTTTCTTCTAGTCTTCTTTGGT  
TGGGTTTGCTCTGCTTTGTTAGACACTGATGCAGGCTCATTTTTAGTTTTCTTAATCTTACTGGATAGCTCAA  
GTTTAAATTGGTGTTGCCATTTTCTCCTTCTGTTTCATCAACTCTTGCAGTTTTTGCTATAGATACGAAGGATG  
CATGTTTTATAACGTTAATATTTGAAGAAGCATTAGAAAGTTCCTGTCGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4764 AF026803|Onobrychis viciifolia histone H3 mRNA, complete cds

AGGCCATCAAGGTCTCACATATCCTTAACAATATTCAAATCTTGTTTCACAAGCTTCATCTCCAGAGCATCGATG  
GCTCGTACCAAACAAACAGCCCGTAAATCTACTGGCGGCAAGGCTCCTCGGAAGCAATTGGCTACTAAGGCC  
GCTCGAAAGTCGGCTCCGGCGACTGGAGGAGTAAAGAAACCCACAGATTCAGGCCGGGGACAGTGGCACT  
AAGAGAGATCCGAAAGTATCAGAAGAGCACGGAACCTTCTGATCCGAAAGCTTCCATTCCAAAGGCTAGTTAG  
AGAAATCGCTCAGGATTTCAAGACTGATCTTCGTTTCAAAGCAGCGCTGTTTCGGCACTGCAGGAAGCGGCA  
GAGGCTTATCTTGTTGGGATTGTTTGAAGATACTAACCTGTGTGCGATTGCTAAGAGAGTAACCATTATGC  
CTAAAGACATTCAATTAGCCAGACGGATTAGAGGCGAGAGAGCTTAGAGATCTACTGATGAATCATCATTTTG  
GCGTTTGATATGTAGAATCCTTGCCTAGTTCAATCTTGTCTAGTTCTTACTTATTTTTCTGGATCTTTTGTCT  
TAGAAATGCAATCGTGTGTTTATGGCAAGTTTGGTGTATGATTTAAATCTAATAGCTAATTTAATTTTTTACCAA  
TATGTTCTTTGTTGATTTATCTTAGAGTTTTTATTGAAAATATTTTGAATAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4765 AY143955|Arabidopsis thaliana At2g28370/T1B3.11 mRNA, complete cds

CCCTTTCACGGAGCTTACTCGCGTTCTTACCAGAAGTGGCGACAATGGAGAAGATGACGGCTTCATGGACTTA  
GGATCTTCCCTTCGCTCATCGATTGCAAAGAATCTTTGGCCTTCCCAACGGATAAGCTAAACTTCACCATCTTCC  
TCCCTCTGTTGTTCTTGGCTCGCTGCGACCGATTAGGGTTCTGAATTATGGAGTGAATGTAAACAACATTTTT  
GTTTAATCCCACTGATTGAGCTCTTGGATCGCTGCACAACGCGATGAACGTGAGCCGGCCTTCGGTGCATCCG  
GTGGAGGCGCCACCACTTACGGAAGGAGCGGTACACAATGGGCCGAGAGTGAGAATGAAGGATGTACAGG  
GCATGCCTGGAACACTAGGTGGACTTGCTCTTCTTCTTCTCAGTTTCTGATTTGCTACGGTTTCTCTGTGTTA  
TGTCTACCACCAAGTGATTTCCCTTCCGTACGGCGTTTCGATATCTTGTTGCTGCTGTTGGCTTGCAATGCTTGT  
GGAGCTTTTTCATTAGCAGTAGTTGATGCATATGCCTTGTTAGTCAGACGAAGCTTGCGGAAGTCTCAATAGT  
TGGTTTGTTACCCCTTGGTGATGCAGTTACGTCCACCCTTACATTTTCTGCTGCGTGTTTCATCAGCAGGGATTAC

TGTTCTCATAGGCAATGACCTTAACAAGTGTGGTGTGAACCACTGTGCACAGTTTGAGTCTGCCACTGCAATG  
GCTTTCATTAGC

>trans\_c\_4766 NM\_111552|Arabidopsis thaliana IMPA-1 (IMPORTIN ALPHA ISOFORM 1); binding /  
protein transporter (IMPA-1) mRNA, complete cds

CCCTTCCATGCCTTCTGAGCTTATTGACTCACAATCATAAAAAGAGTATCAAGAAAGAAGCTTGTTGGACGATA  
TCTAACATTACTGCTGGAAACAAGGAACAGATCCAGGCTGTCATCGAAGCTGGTTTAATACCTCCACTTGTC  
TTTGCTTCAAATGCTGAGTTTGATATAAAGAAAGAGGCTGCATGGGCAATTCGAATGCAACATCCGGTGGA  
ACTCATGAGCAAATTAAGTACCTTGTCAGTCAAGGGTGCATAAAACCTTTGTGTGATCTTCTGTATGCCCAGA  
TCCAAGGATTGTTACCGTCTGTTTAGAGGGGCTGGAGAACATTTGAAGGTTGGAGAAGCCGAAAAGAATCT  
GGGTACCAATGGAGATGTTAATCTATATGCACAAATGATTGACGATGCTGAGGGTTTAGAAAAGATTGAGAA  
TCTCCAGAGTCATGACAACCACGAGATTTATGAGAAGGCTGTCAAATACTCGAGACGTATTGGTTGGAGGA  
AGAGGACGAGGCATTGCCCACTGATGGTGGTGTCTAGCCTGGTTTCCGCTTTGGTGGAAACGAACCTTCCA  
GTTCTTCTGGTGGATTCACTTTAGTTGAAGGCTTTGAAGGATATGTGCGGTTTGGTGGTGATACTAAGG  
GAGAGTAGTACATGTGTCTGCGCACAAGCTTATTTGTTGGGGTCAATTGGATTCAATTCGGGTCCAATCTGGG  
GCATCTTAATATCGAGTT

>trans\_c\_4767 BT029308|Arabidopsis thaliana At5g54970 mRNA, complete cds

TCTCTTCTCCATTTTATTTTCCCTCCACCCCTTCCCGCCTCTCCTCTCCCCTATCTCTCTCCATAAAATCCCCATT  
CTCCCTTCTCCATTTTCATCTCATCTTCAATCCTCAATCCTCAATCCTCGTCTTCACCTTCTTCTCCGTCTCTCGGA  
CATCATGAATCGAAGATCCAGAAGATCGGGGAACCTCTCAATCCGAGACGTTTACAAGTATCTAAAGCCTGGT  
GCGCTAGCACAAATTCGGAATTCTCGGATGATCGCTCGATTCAATCGGGTTAATTGGTATCTCAGATCTACTC  
CACTACTTCTCCAGTCTACCGATCGACTCCGGTTTACTTCAGGTCAACATTGTTGATGCTTCTCCTTCTTTGCT  
GGGAGGGTGTATGGCCCTCTCTTTGCAGAGGAAGAACTTTTGGCTTCCAAGTCTTTGTGGTTTCTCGCTTC  
TAGCCCTACTAATCTCACACCTGATTCTCCGCCTGATCCGGTTATTGAAGTGTTAGGGGGGTGAATTGTATAAG  
TCTTTTCTATGGAATACTTTCAACCTGTGAATCGAGTCTTTCTTTGTGAAATTAATATCAAACCTGTAATACAT  
GATACCTTTTGTAGGTAGTGTTGACGATGGGTTGTGAATTTATTCTTCTTGATTTTGATCGGATTTAAATAATA  
AGATCTATCATATTATCGATCAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4768 BT008743|Arabidopsis thaliana At5g11270 gene, complete cds

TGTCTGTCTACATAAATCAACCGATGTTCTTTCCGGCACCGGTGACGGCACCGGAAGCACTTCCAGGGTTGCC  
ATCGATTTCTGGCCGAGGTAGCTTCTTCTTCAACACCGGCCTTTTCCATCCAGTTTTACTCTTCTACACCGTCCA  
CCGGTTTGTCACTCTGTGCTCACATTTGCTCGCCGTCGGAACCAAAATTCATCTGTGAGTCCGTCTTCATCG  
TCTTCGAAGAAAAAGAAGAGAAATTTGATTCCGAAAGAAGCTAGGGACGAGGAGGAGGACGTACAGGAGG  
ATGCTCTTGAGTTGTTGTTTAGTCAACTGGAAGAAGATCTCAAGAATGACGCGTCTTCTTGATGAGGGTGA  
AGACGATGAATTTAGCGAAGAGGACCTTGCCAGACTCGAGCGGAGCTAGGATTAGCTCTTGGCATCGATGT  
TGATGAAGAAGAAGAGAAAGATGTCAACGATGATGACGAGGACGACGATGATGAAGTTCTTGAAGATGATG  
AAGAAGAGGAAATGCCTGTAAACTTAAGAACTGGCAACTTCGTCGACTAGCCTCGGCTTTGAAGAAAGGCC  
GCCGTAAACAAGTATCAAGAGTCTTGCTGCTGAACCTTTGTCTCGACAGGACCATCGTTCTCGATTTGCTTCGC  
GAACCACCACCCAGTCTTCTGATGTTGAGTGCTAGTCTTCCAGACACTCCTACACCATCAATTATAGAACTAA  
AACATTACAACTACTGA

>trans\_c\_4769 NM\_001053530|Oryza sativa Japonica Group Os02g0525900 (Os02g0525900)  
mRNA, complete cds

ATCAAGAAAGATATGAAGTGACTTACTTCAAGCCATTCCCTGGGTATTACTTTACAGGCGATGGCTGCACCAG  
GGATAAGGATGGATACTACTGGCTTACTGGAAGAGTTGATGATGTTATCAATGTCAGTGGGCATCGTATTGGC  
ACTGCAGAAAGTGGAATCTGCCCTTGTTTCACATCCCCAATGTGTAGAAGCTGCCGTAGTTGGTGTGAGCATG  
AGGTCAAAGGACAAGGCATTTATGCATTTGTGACTCTAGTGGATGGTGTCTTATAGTGAAGAGCTCCGGAA  
AAGCCTTATTTCCACTGTTAGAAAGCAGATAGGAGCTTTTGAGCACCAGACAAAATCCATTGGGCACCTGGA  
CTTCCAAAAACAAGGAGTGGAATAATGAGGAGGATTCTGAGGAAAATAGCCTCCAAGCAGTTGGACGA  
ACTTGAGATACTAGCACGCTTGCCGACCCTGGTGTGGTCAATCAACTCATCGAGCTTGCTGATTGCTGAAGG  
TGAGTACCATAGCAGGTGACACGAGTTTTTCTTGGCAATTGAGTGAGAGCATGTGGATAAACTAGATGTTAA  
ACATATATTTCCGAACCTTGCCCTGAGCAGAACCATTTTGTGTGTCCTGGCAAGTCCACAAAGTACTTAAATAA  
TGTTGAATCCCTCCCCATTTTATAAATCTCAATATCAATCCTCATTTACACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4770 EU676041|Zea mays cultivar H21 SnRK2.10 mRNA, complete cds

ACTTGAAGTTGGAGAACACTTTACTAGATGGAAGTCCAGCCCCTCGTTTGAAGATATGTGACTTTGGCTACTCA  
AAGTCATCTGTGCTCCATTCACAACCAAAGTCAACAGTCGGAACACCTGCATACATTGCTCCAGAAGTGCTATT  
AAGGCAAGAATATGATGGCAAGATTGCAGATGTGTGGTCATGTGGAGTGACCCTCTACGTAATGCTTGTTGG  
AGCCTATCCTTTTGAGGATCCTGATGAACCAAAGGATTTCCGAAAGACAATACAAAGAATCTAGGCGTCCAG  
TATTCCATTCTGATTGTGTTCAAATATCTCTCGAGTGTGCCACCTGATATCAAGAATTTTGGAGGCAGATCCT  
GCAACGAGAATCACTATTCCCGAGATTAAGAACCATTCTGGTTTTTGAAGAATCTCCCATCGGACTTGATGGA  
TGAAACACAATGGGAAATCAATTTGAAGAGCCTGATCAACCAATGCAGAGCCTCGATGCAATAATGCAGAT  
AATCGCTGAGGCCACAATACCAGCAGTTGGTTCACATGGCCTTATGTGCATGACAGATAACCTTGACATGGAC  
GACGACGACGACATGGATGATCTGGATGACGAGTCTGAGCTTGATATAGAAAGCAGCGGTGAAATAGTGTAT  
GCAATTTTGACATTGATATTGAGGTGCAGAAACGACAAAAATTATGGGACTTTTCTTTGGGACTGGNTCTGA  
CTTTCAAAAGAATTTG

>trans\_c\_4771 XM\_002873548|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata emsy N terminus domain-  
containing protein, mRNA

AAGTCCGCTTCCCTCCCAACCCAGAACGGGCTTCTCTCGTCTCGTTCATCGTTCACACACCTTCAATCTCTCTCA  
CAAAGAAGAAAGAAAAAGCCTCAATCCCAATCTTAGATTTCGTGATATTCATAATCTTTTTCTAAAATTCTTT  
CAATTACTGGCGACTGAACTTTTCAGAGCGGAGCGAGTCTTGATTCTCACTCGATCCATGTTTGCTCTGCAAA  
TTAGCTTATTGGACTTCCATGGGTGGAGCTTGACCTTGGAGTTTCTGCCATATTCTGCAATTTGCTTGTTGGGT  
TTCTTTGTTTTCTTGTTGGGTTTTGCCGCCTGTGTTCTTGTTGAATCCTGAGGAATTTACCGCGTTTTCTGAG  
TTGGGTTTGTCTGTAAGTTGCTTTCCTTTCGTGGGTCAATTGGGCTAGCGTTGAACCTCATGGAGTATGAAC  
CGTCTGATAGCAGTGGAAACAGATGATGACCTTCCTCCTCATCAAAGTAGATTTCAAAGAGGTGGGCTTCC  
AGCAGGAAATGGAAGATCTGCACAGGTAAATTCTTCTGCATTACCTAGGATGCTCGGTGATATGGAAATGCA  
GATCCACCACATTGAGCAGGAAGCATATAGTTCAGTCCTGCGTGCTTTTAAAGCTCAATCGGATGCAATTACTT  
GGGAGAAGGAGAGTTTAATAACAGAATTAAGAAAGGAGTTGAGAGTATCAGATGAAGAACACAGAGAAGCTT  
TTATCTAGG

>trans\_c\_4772 XM\_002893568|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipase class 3 family protein, mRNA

ATAACAGGGCACAGTCTCGGTGGTGCTCTATCTCTGTTAACAGCATACGAAGCGGGGGTGACATTTCCGGCCG  
ACGTACACGTAAGCGTGGTGTCTGTTCCGGAGCTCCAAGAGTTGGGAATTTAGCGTTTAGAGAGAACTAAACG  
AAATGGGAGTGAAGACACTTCGCGTAGTGATAAGACAAGACATTGTTCCGAAGCTTCTGGTCTGTTTGTGAA  
TTCGATTGTGAACAAGTTAGGTGCTGTGACGGGGAAGTTGAATTGGGTGTATCGACATGTCGGGAAGGAGTT

GAGGATGAATATGTATATGTCACCGTATTTGAAGAAGGATTCCGACATGTCGGGGAGTCATAACTTGGAGATT  
TATTTGCATTTGGTGGATGGGTTTGTGGCTAAGAAGGGGAAATTCAGGTGGAATTCAGAAGGGGATGTGGCT  
TTGGTGAATAAAGGTAGTGATATGCTTGTGGAAGAGTTGAGAATTCCTGAGTTTTTGTATCAATTGCCACATA  
AAGGGTTGATTAAGAATAGGTTTGGGAGATGGGTTAAGCCAGGGAGAAACCCAGAAGATATTCCTTCACCGT  
TTTCTCAACCTTTACAAGTTTGACATTGTTTGGTCTTTTTCTGTTTCGTTTGTGTTCAATCATATATGTGAATTGG  
ATCCATTGATGTAGATGATTGATTAAATCTTTTGTGAAATGAGGATTTTGGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4773 Novel Gene

TAGCTAAAGCCATTGAAGGCCTAATCCCCTTACCATCAGTCATTCCAAATGATGCCATAAGGGAAGAGCTTGA  
AGCAATGGAGATCCAGAAAGCTGCAATCGACAAACGAGCCGAAGCACTCACACGACGAGAGCTCTGGTGTG  
GGTTGGGCTTCCTAGTGGCTCAAACAGCTGCATTATGAGGCTCACCTTCTGGGAGCTCACTTGGGATGTCAT  
GGAACCAATTTGCTTCTATGTACCTCAGGTTACTTCATTGCTGTTTATACATTCTTCTCAAGACCTCGAAAGA  
ACCATCATTTGAAGGCTTCTTCAAAGCCGGTTTAGCACAAAGCAGAAGCGACTGATGAAGCTTCAGAATTC  
GATATCGCTCGTTACAACAACTCCGAAGAGCCTGTTTTCAAACCTCCTCAGCTCCAGAACTTCCTTCTTCTCA  
GATTCTATGGTGTATGATAATTCAACAAAGATGCAGTTGGAATCTATACATCATTAAGAAAGAAATTACAAA  
CAGCTTTAAATAAAGAAAAGTATACGTAGTGTGCGATGTTAAGCTGTTTCTTTTCTTCACTGCTACCTTCTA  
TAACTTTCATTAGGTCCGGCGGCAGCTTTGTAAAACAGAGTACATAGAATTATCATTCACTCTTCTAACAAAAA  
AACTGAATCCTTTTTCTTTCTTATTTAATAACAAGTTAAAAATTAGGTTGGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4774 NM\_111824|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT3G09890) mRNA,  
complete cds

AAACCGCAAAGCCAAAAAGTAATTAGTGAAGTCATTTGAAGCACTTATCAAGATGAGGCCTACTGACACCCC  
ATCGCCATGTGGGCAGAAGCAGCAGCTTCAAAAATTGCCCTGGCCTCTGTCCCTGGATCGGGAAGCTCAGTT  
GGGGCCTTCCCGTATGTATTTGCTTTGTGGGAGATGCGCCTGAAGCTAGCAGTAACCTTACGACTGCGGCAT  
GCTCGCCTCTTGAGCATGATGAAGAGGAGTGTACCTTCCGCATCAACTGATTCTAGCATCCTTCTCACGCAC  
TCTGTGTCGTTAGCACTGTTTATTAGGAGTTGAACAATCTCTACAAAACCCCTGCACAAGCATCATGCAAAGG  
AATGGCACCATCTTCATCTTGAACCTCCAAGGCTGCCCCTCTTTCAAGCAGCAACCGAACACATGGCAGATGG  
CCATAGAGACAGGTAAGGTGGAGAGCAGTATCCCCATCTTCCACAGCGTCATTTATACTTCCACCGTTAAATT  
ATCTAGAGCGGTGCGAAGGCCATCGACGTCGCCGAGCTGGGAGGCGGAAGCTAGGGGGCGGAGGTGAGGG  
GGCGTATCGGAATCGAATCAATAACACCGTCCTCTTCAAAGAGAGCGTTGTCTTCTCGTAATCGTCTTCGTC  
TACGACGCCGTTGCGCCTGCCGGGAACAGCCATTGACGTTCAAGTTAGCTTTCTCCGAAGGTCTTTAGGTCAG  
AGAAGCCGCGGAGATT

>trans\_c\_4775 EF415877|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 022BT24M13-582.0 mRNA  
sequence

GGTGCAGAAAAAGATCAAACAAAAAAATGCTGAGTGAACTCATTGATGAGACTGAGATTCAGGCGCCGGCC  
GCCAAAGTTTGGGAGATTTATGGCACCGTTGAGTTTGAAAACCTCCTTCTACATCACGTCCCTCATGTGTTCA  
GAAAATCGAGTTCCTCGAAGGCAATGGCGGCGAAGGAACTCTTCTCTATGTCACTTTTGCTCCTGGTTTAGGT  
GGTGTGAGATACAAAGAGAAGTTTACAAAGGTGGATAATGAGAATCGTATAAAAATAGCAGAAATGGTGGA  
AGGAGGTTATTTGGATCTTGGCTTTACTCTTTACAGGTTTCGTTTTGAGATTATTGAGAAAAATGAAGAGAGTT  
GCATAGTAAAATCAAGTGTCCAATATGAGTTAAAGGAAGAAGCGGCTTCAAATGCTTCACTTGCAACTGTTCA  
ACCTTTGAAAGTGGTTGCTCAGACTGTCAACAACCTACTTCTCAATAAGTCAACAGCCTAGAAGATGATGCATA

ATCCATTGATGTGATAACCATCCATATGTTTTGAATGGACTTCTTTTAGTGTGTTGTTAGAAATAAGCTAAGTCG  
TTGTTTGCATATTTAGCAACCACTTAGTACTTTTTCTGTAATGGGTTTGAGAAAGTTGTTTGCATGTTTAGTA  
ACCCCTAAAAGGACTTTTTATGTAATGGGTTTGAGGAAATAAGTTTCTTTTTTTTTTTATGAATAAGAATG  
ACCCATTTTGC

>trans\_c\_4776 XM\_002879749|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata esterase/lipase/thioesterase family  
protein, mRNA

ACTTCCACTTTCTGTCATCTTGCTTCCACACAGATATCCTTCTCCATGGCTGCTCAACAACCTAGATGGCCTCAC  
CTATGAAGAGGAATTTATATTGAACTCACGTGGGATGAATCTTTTACGTGCAAAATGGCTTCCAAAGGATAAG  
GAACCAAAGGCTTTGATCTTCATCTGCCATGGCTATGCAATGGAATGCAGCATCACCATGAATAGCACAGCAG  
TTCGGCTTGCAAAGGCAGGTTTTGCTGTTTATGGTATCGATTACGAAGGCCATGGAAAATCAGATGGCTTGCA  
AGGCTATATTACAAGCTTTGATTTCTAGTGGATGATTGCTCCAATTTCTTCACAGACATTTCTGAAAGGAAAG  
AAAACAGGAACAAAATGAGGTACCTATTAGGAGAGTCAATGGGAAGAGCAGTGGCTTTGTTATTGCATAGAA  
AAAAACCAGATTATTGGGATGGTGTCTTGGTCGCACCTATGTGTAAGATTGCAGATGATGTTAAACCAAG  
TCCACTAGTTGTAAGTATACTGACAAAGCTTTGCAATTTTATACCCACATGGAAAATTGTTCCAACCCAAGATA  
TCATTGATGTAGCTCTCAAAGTTCCTGAGATTAGACATCAGATCACAATAATCCTTACTGTTACAAAGGGAAG  
CCTCGTTTGAACACTGGCCATGAACTCCTCAGGATCAGCTTAGATCTCGAGCAAAGACTCGATGAGGTTTCGTT  
ACCGTTCGCGGC

>trans\_c\_4777 NM\_117048|Arabidopsis thaliana RPS18C (S18 RIBOSOMAL PROTEIN); RNA binding  
/ nucleic acid binding / structural constituent of ribosome (RPS18C) mRNA, complete cds

GGGGGTAAGTCGTCCGTTTCGTTGCAGCCTCTTAGCCAAGGAGAAGAAGCATCAGGACGAAGACGCTCAACC  
TCTTCTCTCAACAATGTCGTTGGTAGCGAACGAAGATTTCCAGCACATTTTTCGTGCGCTCAACACAAACGTTG  
ATGGGAAACAGAAGATCATGTTTCGCTCTTACTTCCATCAAAGGTATTGGAAGGCGTTTCGCCAACATTGTCTG  
CAAAAAAGCCGACGTCGACATGAACAAGAGAGCTGGTGAATTAAGTCTGCGGAGCTGGACAATCTCATGGT  
GGTTGTTGCCAACCCCGACAGTTCAAATCCCGATTGGTTTTTGAACAGACAGAAGGATTACAAGGATGGA  
AAGTATTCACAGGTTGTGTCTAATGCTCTTGACATGAAGCTGAGAGACGACTTGGAGCGTTTGAAGAAGATCA  
GGAACCACCGTGGTCTGAGGCATTACTGGGGTCTTCGTGTCCGTGGTCAGCACACCAAGACTACTGGTCGCCG  
AGGGAAGACTGTTGGTGTCTCTAAGAAGCGTTAAACAATGTCTGTTTTATTTTGCTTGACAAGCAAATTTTCA  
GCAAATTTTCTGTTGGATGCAATATTTAGATTAATGGAATTAGTTGTTGAGATTGGTTTAGAACTTTTTGG  
ATTTGGCTGTGGGGTTCCTTAAGCCTCTCTGCGGTTATATTTACATCGATGATTCATTTTTGCTCCTTTATA  
TAGAGATTGAAAT

>trans\_c\_4778 AF517549|Arabidopsis thaliana cadmium induced protein Cdl19 mRNA, complete  
cds

AGTTACAAACCCCAATTTCCATACGCTTTACGCTTCTTTTCTTCTTCGTCAATTCAATTCTACGTTTTCTGTTTT  
CATTTTTGCTGTTCTTTTCGGTTTCAGAAAGTCCTTGAAGCTCCTAAGAATGACGGGGAGAAGAAGCCCACCG  
ATGCCGGTCAGAAGAAAGACGATGGTGCAGTCACTGCCGTTTTTAAGATCGATATGCATTGTGACGGTTGTGC  
TAAGAAAGTTAAACGAGTTGTGAAGCATTGGATGGTGTGAGTGACGTGAAAGCGGATCCTTCATCCAATAA  
ACTCACCGTTACCGGTAAAGTAGACCCTGCCGTAATCAAAACGAACTGGAGCAGAAGACGAAAAAGAAAAAT  
CGAAATCGTCTCTCCTCAGCCTAAGAAAGAGGGTGGTGGCAATAAGAAACCGGACGAAAAACCGAGAAGA  
AGACCGACGAAAAAGCAGAGAAAAAGACCGATGAAAAAGGAGAGAAGAAAGCCGACGGAAAGTCAGAAAA  
GAAATCTGGCGAAAAAGCCGAGAAGAAGCCTGAAGGAAAAAAGTCCGAAGACAAAAAGCAAAAGAGAGC  
ACTGTGGTTTTAAAGATGCGATTACATTGCGAAGGTTGCATTCAAAAGATCAGGAAGGCACTCATCAAATTCA



AAGGAGTCAATGAGATTTTCAGTAGACGCTCAGAAAGATTTGATTACAGTAAAAGGCACCATAGAAGGAAAAA  
ACCTTCAAAGCTACCTCAAAGACA

>trans\_c\_4779 NM\_118589|Arabidopsis thaliana UBP16 (UBIQUITIN-SPECIFIC PROTEASE 16);  
ubiquitin thiolesterase/ ubiquitin-specific protease/ zinc ion binding (UBP16) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAACGTTTCCCTTCTACAACCTACCCATTACTCATTACATTGCTACACTGTCTGC  
TAGGGTCAGAGTGCAACCAAACACCATCTTTACCCTCCATCAAACATGCGGTTTTCTCCCTACCGTTACATTCTC  
GCCTACTTGACAGATTACTGATCCCATTTGTATAATTGGGTTGAGGTTGCTCAGTTGTTTTAGCACACCTGCTC  
CACATTGCCTCGAATCACCCGGATGCAAAAGTGGGGAGGATGAAGACGATGATGGTAAAGAAGCATCTACAT  
CAGAAGGAGTTTGCAACCATTTCAACCGCATCCAGAATCGCTGCTGTAAAAGTACTCGGGTAAGTCATCAGT  
GCTCGTAGAGTCACTGCTGCTGTTGGTACCACATGAACCTTTCATCAGAGTGGCTACTGAAAAGTGAGGAGCTA  
TCGCTCGTTAAGTCCTCTTCCAAAAGCTTCTTAAGCTGGTGGAATTTCCGATAAAACGAACTGATATTTGAAGG  
ATCATTTGATGAATTGTTGTTTCATATGTTGGTTCTGGGAATCAGGATATGTGGAGTTGGAACCTTGATTTAGATG  
AGCTACTCGTTCCATTTATCAAAGATGGAATGCATCTGTTTCTGGAATCAGTCGTAATTTTGTTCCTTATCAACC  
TTGGGGCCCTAGGTGAGCATCTTGCATAAAAGAGCATGTATGCCCTCTTGTTAGTACATTTTTGACATCCATA  
GCTG

>trans\_c\_4780 XM\_002877899|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S21, mRNA

AGTCTTAAGAATCATAGGGTTTCTTCAGCACGCCTCTTCTCCCTTTCGGATAGTTCGTTTCTCTGTTGTGCTT  
GCGGGTTGATTCACCTATCAAGATGCAGAACGAAGAGGGTAAATACAGAGCTTTATATCCCAGAAAATGC  
TCCGCAACGAATCGGCTGATTACTTCCAAGGACCATGCTTCTGTTTCAGATCAACATTGGGCATTTGGATGAGA  
ATGGCATCTACACTGGGCAATTTTCTACTTTTCTCTCTGCGTTTTTCATTGCGGGCCAGGGAGATGCTGACAGT  
GCACTGGATCGTCTCTGGCAAAAGAAGAAAGTCGAAGTGCCTCAACAATAGATGATTGTGTCTTTCTGGTTCA  
TCTCTATATCAAAGTTTTCAAGTATAGAGATACAGTTCTAAGATTTTTGAACCACTCGCAGTTAAGTAGTTTCT  
TTCGACAATTTAAACTCGTTAGTTCCTTTAAATGCGAACTCAACTTCATTGAGGTTGGACAAGCTCTGATGAGT  
CAAAAGAGGACCAAACTAAGTTGAATGAAATACGTTGAAGTTACATTTTCCATTAATAATTTAGTAGAGC  
CTCTTTCAATTCTGAGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCGCCCTCAAAAATTTTATCAAACC  
CCTCAACCCAG

>trans\_c\_4781 AY724779|Camellia sinensis chloroplast photosystem I reaction center V mRNA,  
partial cds; nuclear gene for chloroplast product

CTCTTCTCGACCAAATTATATGATCCTCTCGTATCCTCCCCTCAATTATCCACTCCAAATCTCCCACACAACAATT  
TCACACCTCCAATGGCCGCCGCCTCCTCCTCCGCCGTCTTCGTCGCCCCAACCTTCTCGGCTACCGCCACGAGG  
CAGCAGCCCAGCCCCACCACCATATCGTTCCAAGGCCTCCGTGCGCTCCCAGCGTGAAATCGAGCCGGTCAG  
TTGTTGCGACAAAGACCCGGAGATCGATGACGGTGAAGGCGGAAGTGAATCCATCTCTAGTGATAAGCCTAA  
GCACAGGGCTGTCCTTGTCTTAGGGAGGTTTGTGTTCTTCAATTTCAAAGGGAGAATGTGAGCAAGCAAGT  
GCCAGAGCAAAATGGGTTAACCCATTTTGAGGCTGGTGATGTTAGGGCTAAAGAATATGTTAGCCTCTTGAAA  
TCTAATGATCCTGTTGGGTTAATATTGTTGATGTTCTTGCTGGGGTTCAATTGGTCATATTGTTGCTTATTAT  
ATCTTGGCTACTTCTAGCAATGGATATGATCCTAAGTTCTTCTAGTTGTTGTTGTTATTACTGTGGCTTTGTATA  
GCTAAATCCATCATTTATTGCTTTTGAACCACTTTGTTTTGTATCTTCTCTAATGGGGTTTTTGTGGAATGATA  
TTGGGAAAATGGGAAGATGGGGTTGTGAGTTATGTTGTCTACTGATTATTATTGCAATGTAACCTTTTTGTTT  
TGTGCG

>trans\_c\_4782 NM\_001067832|Oryza sativa Japonica Group Os08g0230200 (Os08g0230200)  
mRNA, complete cds

TGAACTCATCTGGGGCACCTAAAAAACGTCTGGTCCATTGGAATCAATGGGTTCAATGAAAATAAATGGCCC  
ATCAATAGCACAAAATCCTGCAGTTACTACACTTAGCCCAGATGATGAATATTCTTTGGAAAAAGCTTTCCGA  
AATTAATATCGTGGTCTGTTATTCTCATATTTGTCATGGGGCTCATTGCTGGTAGTTTTATTCTTGCTGCAGTCC  
ACAATCCTGTTCTTCTCATTGTTATTGTTCTACTCTTTGGAGTAGTTGCTGCAATACTTACTTGGAACAGCTGTT  
ATGGAAAGAGAGCTCTTATTGGTTTCATTGCTCAGTATCCTGATGCTGAACTCCGAACTGCAAAAAATGGGCA  
ATATGTCAAAGTCTCTGGGGTTGTTACATGTGGCAATGTGCCCCTTGAATCATCCTTCCGTAAGGTTCTAGAT  
GCGTCTATACATCTACTAGTCTATATGAGTATCGAGGGTGGGGCTCAAACCAGCTAATCCTGGACATCGTCG  
ATTTACATGGGGACTGAGATCATCAGAGAGACATGTGGTCGACTTTTACATCTCTGATTTCAGTCCGGATTGA  
GAGCATTAGTTAAGACAGGCTATGGTGCTAGAGTGACTCCATATGTTGACGACTCTTTGTTGTTGATGTTAAT  
CCATCAAACAAAGACTTATCGCCGGAGTTTGTCGATGGCTAGGAAGGAGGAATCTTCNAGCGATGATCGT  
GTAATGCGAT

>trans\_c\_4783 XM\_002331680|Populus trichocarpa Sec61 transport protein, mRNA

ATTCTCCGAATTCAACCAATCCTTACGATTTCCGTCTCTTTGACTCTTCTCTTGCTGCGACACGATAATTGA  
CTATAAGGAAGATGGGAGGTGGGTTTAGAGTCCTTCATCTGGTCAGGCCATTCTTTCTGTTTCTCCCTGAGGT  
GCAGAGTGCCGATCGAAAAATCCATTGAGAGAGAAGGTCATTTATACTGTCATCGCACTTTCATCTTCTGG  
TATGCAGCCAGCTTCTCTGTATGGGATTCACTCCACCACGGGCGCAGATCCGTTTTATTGGATGCGTGTTATC  
CTAGCTTCCAATCGTGGTACCGTCATGGAGCTTGGGATCACCCCATCGTCACATCTGGGATGGTGATGCAAC  
TCCTCGTTGGATCCAAGATTATTGAAGTCGACAACAATGTGCATTGGTGCACTGACCGTGTTGGCTGATTTTAT  
GGGAGCAATAGTTTCTGGAAGTGAATTTTGCTTGCACTGACAATTATTTATCAGTACTTCGAGACCTTCGAG  
AAGGAGAAAGTCAGCGAATTGGGTCTGTTTGGTTTCTAAATTTTTCAATTCGGTTTAAGTTATAAACTTTGG  
TGGTACCAAAGAGCTCCCTGTCAATTTGGTGCCTGGGATTTTACAAGCCTCTAATTGTATGAATATTTTAG  
ATTAGAAACGTTACAAGTTTGAAGTAAAGTATAAAATTGATATATTTTAGCGGANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_4784 BT025018|Arabidopsis thaliana At1g49245 mRNA, complete cds

AAAGCAATCGAATCGCGGGTGAGATCAGTCGGCAAATGGCTGCCGACGGTGTTTATGACGGCGGCGTTCC  
CGTCGATTACAAAGGAAGAACAGAACTGGAAATTACAAAACAGATGAGAAGTCTTGAGGTCGCCATTGCAG  
AGCTCAATCATCTTCTCTACCAGAGCTGTCTATCAGAAAAACGGAAACCTATTTTTTGAACAACCTGTTCAA  
AAGCAACTACTTCGGAACAGAAAAAACTTGATGCGGCTAAAGCAAGGCTTGAAAGACTGAATTCTTGATTG  
GACCTCCAACAAGGGAGTATTTTCTAAGTGCTTCAAAAAGCGTTTTTAATTGAAACTCAGGAGCAAAGGGTT  
ATTAGAGGTTCAAAATCTTTTTAGTAAATCTTTTTGCTAAACTCTTTCACTTTGATCACTGCCTATTCTGTC  
TATAAATGTGTAATGCTATACTACTTATTTTGTGCCTTAGAATCTATGCACTATTTTGAACAATTTGAAGTGAT  
AATTCATCTAAGACGAAAATAAATCTCCATTTGACCAAACTAGATTGATGTTCAAATTTCCACTTTCTGGCTAG  
GTGGTCACTTGGTAGAGTTGTTGATAACATTAATGCTCTACCTGAATCTTACAAAGTGTAATTAGTGTCATAT  
CTTTGTTGGATATTTTATCATTTGATTAATTTGAACTTTAAATTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_4785 AJ309196|Oryza sativa snoRNA gene cluster III (Z103a, Z103b, Z103c, Z103d)

ACTACCAACAATCGTCTTCTTCTCGGTTTCATCTCCACTCTATAATTGTATGGTTTGGTTCCATAACAGGTAA  
CCCTTTGTCCTCTTCTCGTAGTGTTTAAATAGCGTCGAATACTGATTACGAGCATCCGTGAGACTTTGTTTCA

CAATCGGATGCTTCGTATGAGCCGACGCGATATCTGTTCCGATTCTGTGAACCGCAGAGGCTTTTGTGGCTTCC  
TTACGAAGCCAGCCGCTGAATTGCAGTTTTGGACAAATTAGATTCCACTACTTGTTTATATAGTTTTAAGTTTGC  
TATGTTTTTGCATTGTGTGAAGTGTATGATTTCAATTGAAGATGGAAGTGTGACACTTTCCCAAATGATCG  
ACGCTGATTATACTATGCTGGTGTGTGTTATCACGCTTTTGTCTGATCCATCTTTATTTACCTAGATTGCATTGC  
TTTTTTTTTCTTCTCTATTACAATCTTTTACTAATAATTGGAGTTAGCTTAAGATGTGTCTTTGTATTGAGTT  
GGAACGAAGTTGGATGTGATGATACTTTCCCAAATGATCGACGCTGATTATACTATGCTGGTGTGTGTTTATC  
ACGCTTTTGTCTGATCCACCTTTCTTTACCTAGATTGAATTGGTTTTTTTTCTCCACTTACAGTTTTTTTTACTGAT  
AATTGAAGTTAGCTTAAGATGTGTTTTGTATTGAGTTGGAATGAAGTGGATGTGATGATACTTTCCCC

>trans\_c\_4786 AJ224932|Lycopersicon esculentum H2B-3 mRNA for histone H2B

ATCTTCCTAAACGAAAATCCCTCTTCTCGAATTCAAATCTGTAGACTTGTTCAATTGAAATGGCTCCAAAGGCA  
GAGAAGAAGCCCGCCGAGAAGAAACCAGCGGAGAAGGCTCCAGCTGGTGAGAAGAAGCCTCGAGCAGAGA  
AAAAGATTCCGAAAGATGCTTCGTCGTAGATAAGAAGAAGAAGAGGATGAAGAAGAGCGTTGAGACCTAC  
AAGATTACATCTTCAAGGTCTTGAAGCAGGTCCATCCCGATATCGGAATCTCTAGCAAGGCCATGGGGATTA  
TGAATAGTTTTATTAATGATATTTTTGAGAAGCTTGCTCAGGAATCGTCGCGATTGGCTAGGTATAACAAGAA  
GCCGACTATCACCTCTAGGGAAATCCAAACGGCTGTTGCTGCTTCCCGGTGAACTTGCGAAGCATGCT  
GTGTCCGAAGGGACGAAAGCGGTTACCAAATTCACCAGTTCCTAGAAATTTGATCGTATCTGTTAGTGTTTAA  
AAATTAGCTTCGATATTGTTTGATGATATAGATTGCGATTGTTTTGTCCGGCTTAGTATGAAACGGAAATTCT  
TCGTTTGAAGTTGATGCAATATTTTCGTATAATTGTAGATCAGTGATCAAAAAGTGTTCAAAATTTGACCTTCC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTGCATAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4787 NM\_104266|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related  
(AT1G53885) mRNA, complete cds

ATCTTCCCTATTCTCTCTTTTTTCTTCCTTCTCTTTCTTTCTACAGTTCTATACTTTCCATAATGCTCCCCAAAT  
TGAGCAGTCTTTCAAGAGGAAGGAGAGAAATGATAATTCCAGTAGTTATCTGAAGGGTGTGGGTTAGGAA  
TTCTTGACATCGATCACCAGAACCAATCTAGTGTTAAACAATCCAGAAAATTGTCTCTTCACCTGTTTCTA  
GTTCTAATAATAACCCATCTTTTCTCAAACATGCTCTCTATGCAACAAGAATCTGGACCCTCAAGAAGATATTT  
ACATGTACAGGGGTGATCAAGGTTATTGCAGCATAAAGTGTGCAAAATCAACAGATTGATATTGACGATAAGA  
GAGAATTAGAAGCTTCCACTAGAAAAATGGTGGCTGCTTACAGACAATGTCTTAAAAATGAACCAAGAACTGA  
AACACGTCTCCTCTTAGAAGATCTCCGGCAACATAACCGGCTTCTCATTGAGAATTGACACAGTTGTTTCAT  
AGTTGATTCTCCTCTTTTTTCCAATCTACTGCAAAATGGAACAGTGTAATAAAATGGATAAGAAGAAATAAAA  
GGAGAAAAAGGAAGTTAGTTAGATCTTAGTTGTTTCAATCCGTTGCTGGATTGATGTTGTATCAAGGAGGGG  
ATAAAGGCTGTAAATTTGTAGCTCTATGAGAACTCTCGATTTTTTGGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_4788 AB378627|Lotus japonicus HDZ-M48 mRNA for transcription factor Homeobox,  
complete cds

TAGAAAACCAAAGCCACCTGAAGAAATCCATTGATTGAAAAAAGCCAAAAAGAAACAGAGTCGTGTCCCCTT  
GCCGGAATCGAATCTCCGGCAGCCTCTGTTTCCTTACCAGTCGAATCGCCCTTCTTGTTCTGGCCCTCTATC  
GCCGGAATACCAACCGATCCTTATCGGAAATTAGCTGTGAACCAAAAATTAGAAGGCATGGTGGGATTTTTC  
GCGATTCCGCTGGAATTTAGCTAGGTTACTGTGGACTACCAGTTCCTTCCGCCATAAGCGATCTTGATCTTC  
TTTTCTTTTACTTAATTTCTTTTCTTCTCGAGATTACTGTTCTGTTTTAGGTTAGTACTAAATCTTCGCTTG  
CATAAATTTGAAATTCCTTACAAATTTACCTCTGAGGCGCTGGGATTGAAAAAAGGAGTAGGAGATTGGAAT

GGAATCTGGTCGGTCTTGTGTTAATCCGCCACCTTATGGCGGGAACATGCTTTACCTTGGTGGAGCCGGCGGC  
GATCCTTGTCTGCGAGGAGGAAGAACAATGATGAGCATGAGCATGAATGAAAGTCCAAAAGGGAGGCCATT  
TTTATAGATCCCCGATGATCTTTACGATGATGAATATTATGGATGAGTTTTACCCCGAGAAGAAGCGTCGTCTC  
ACCCACGACCAGGTCCAAATGCTGGAGAAGAAGCTTTGAGGAAGAGAACAAGCTGGAGCCAGAGAGGAAATC  
CCAACTGGCCAAG

>trans\_c\_4789 XM\_002886057|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

TTTTTTTTTCGATGTTTTTCTGGGATAGAGTCAGTGTTAGGTTTTTTTTTTCTTCCCCCACCCCCCTTTTTT  
CGAGCTATCTTTTGCTGATCGATCTGCGTTAAACGGATATGGGTGCCGACGGTGATTCCAGCGAGCACCGAGT  
TGATGCCGATGCTGAAGAAGGAGGAGTCAGTGTTACAGTTAACATTCGATGTTCTAATGGGTGAAATTTTCC  
GTGACGACGAGTCTGGACTCTACAGTTGCAACATTCAAATCAATTCTTGCTCAAAATTGTGATATTCCAGCTGA  
TCAGCAGCGCTTGATCTACAAGGGTCGCATCTTAAAGGACGATCAGACCTTAGTTAGTTATGGTTTACAGGCA  
GATCACACTATTACATGGTTTCGTGGTTTTGCCCAAGCTTCATCAACACCTTCTGCACCTGCTTCTAACGTTAAT  
ACTAGAAGTTCTGACACTGCTCCTGGAGTCACAAGAGGTGTTGGTTCTAATGAGAGTGGTGCTTTTGGAAATG  
GTGGCCTTGGTGCGTCATTATTTCTGGACTGGGTTTCAATCCTCTTGGTGGAGGTGGAGCTGGACTTCCTGA  
GTTTGAGCAAGTGCAACAACAGTTGACTCAGAATCCAAACATGATGAGGGAAATAATGAACATGCCCGCAAT  
ACAGAATTTGATGAATAACCCTGACTTGATGCGAACCTTAATTATGAGCAATCCTCAGATGCGGGATATTATTG  
ACAGGAACC

>trans\_c\_4790 AF378900|Arabidopsis thaliana At2g04520/T1O3.7 mRNA, complete cds

CTCCATTGAATCCTCTGTGCGAGAGAAGTATTATCTGCAACCATGCCAAAGAACAAGGGAAAAGGAGGAAAG  
AATAGGAAGAGAGGTAAGAACGAGGCAGATGATGAGAAGCGTGAGCTTGTGTTTAAAGGAAGATGGACAGG  
AATATGCTCAAGTGCTTCGAATGCTAGGTAATGGTCGGTGTGAAGCGATGTGTATTGATGGAACATAACGTCT  
TTGTCATATTCGAGGAAAAATGCACAAAAAGTTTGGATCGCAGCTGGGGATATCATACTAGTTGGTCTTCGT  
GACTATCAAGATGACAAAGCTGATGTGATTCTCAAATACATGCCTGATGAAGCCAGGCTTTTGAAAGCTTACG  
GTGAGTTACCTGAGAATACACGTCTTAATGAAGGTATTGTTGGGGGTATGGATGACGACGACGAAGGTGGTG  
GTGATGCTTACATTGAGTTTGAGGATGAAGACATTGATAAGATCTAGATATTAGTCCTTTATTTGAATAATCT  
CTTAGTAAATGATAACTACATACTTATGTGGGGTGAGGTTGTATAACCGAATTCGGTTTCATAATAGTCTGAAA  
ATGATGGGAATCGGTTAAGTCCATGTAACATCTGTTTCGTTTATACAGAATGATTACATATGTCCCTTCTGGCCA  
ATAATACTTCTATTGGAATACAACCTCACCCCGTTGTTGAGATGGTTTTGTACCATTCTTCTTTTAAATGCAAG  
ATGTGATATTTTCTT

>trans\_c\_4791 Novel Gene

AAAAAGAGGAATATCATAACCGCGCCCAGCCATTGACCAGCTTGGCCGCCTCCAAAATCCATTTCTATAAGAA  
CACAATTTCTTTGATTGAACAGATTACAAGTAAATTCAGGCTGGTGCAAGGGCCTTTGAGCTCGAGGACGA  
AGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAGTATTTATGGCGACTTCGAAGCTCCAAGCATTGTGGAACCAACCTGCTGGC  
CCTAAAACCATTCATTTCTGGGCACCAACCTTTAAGTGGGGTATCAGTATAGCCAATATTGCTGATTTCTCTAA  
GCCACCAGAAAAAATTTCTATCCTCAACAGATAGCTGTTACAGCCACTGGAGTTATCTGGTCACGTTACAGCA  
CTGTGATCACACCGAAGAAGTGAACCTTTTTAGTGTCAACATTGCAATGGCAGGGACTGGCATCTACCAATT  
GACAAGAAAAATACAGCATGATTATTTCTCGAAGGAGGAAGTAGCTGCTGCCAAAGAATGATGACGAAATAT  
GATCCATTCTTCATTTATCTCTGTGACGATCAAATTTCCCTTGCTTTTCCATGCATCTCCCCCTCAATCTTCTG  
ACCTTCTACCAAAGGCTCTATGACTTCTCCTTTATTTCAATCAATTTATCTTCTTTATTTTACTTTTGTAGCTAT  
GCAACTATGCTTGAAACTGTTTCGGAAAAATAAATAAGATCCTGATTTAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_4792 NM\_001069092|Oryza sativa Japonica Group Os09g0103600 (Os09g0103600)  
mRNA, complete cds

GTTCTTTCCCCCACTCGTATGATTCATTTGCCATCCTCTCCTCGTCCGGCGTCAGAATTAGGGTTTCGATCAA  
TCAATATCCTCCGACACGGATTTTCGCTGTTTTATAGCTGGTAGTTATGGCTAATCGGACAGACCCAGCTGCGAA  
AAGCATTAGGGGAACGAACCCGCAGAACCTAGTGGAGAAGATTCTTCGCTCCAAGATTACCAGAACACTTAC  
TGAAGGAACAATGTTTTGGGTAAACGGCGGAGACATTGGTTGATAAAGCCATGGAGCTCGACCACCTCGGC  
GGTACATATGGTGGCAACCGCAAGCCCACGCCGTTTCATGTGTCTTGTTCATGAAGATGCTCCAGATTCAGCCGG  
AGAAGAAAGAAAAGAAGGAGAAAAAGGAAGGTGGGGCAGGTGAGGAAGATCCAGAGATTGCTGAATGGA  
ATAGGATTCGAGCTTCTCTGGACTGGCACCTCTCAAGTAGATGGTTTTCTCTTCTTCAGTTTCAATGATATGTG  
AGTGAATTCTGTTTCATAAAGTATTGAAGTTAAAGCTTGTATTCAAAAAGTTTTGAGTTTGAGGCTTTTATG  
GTTCTGATTTCTGTATAATATTAGTTTGCTGCTATGCTATTGCAATGTTGAATGATAGTATAAAATCATATTTGG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4793 FJ903176|Nicotiana tabacum cultivar Xanthi type 2 histone deacetylase c (HD2c)  
mRNA, complete cds

CTCTCTATATTGTGTCTTAAACAGTTCAATCCTTCATTCTTTCTCCTAAATATTTCTAAAACCCTAACTTTTCTTC  
CTTCGCTATCAATGGAGTTTTGGGGTGTGAAGTTAAGCCTGGTCAAGCACTCTCTGTGCAGCCTGGAGACAT  
GAACTATGTGCATCTATCACAGGCGACTCTAGGTGATTTGAAGAAGGACAAAGCAAATGACCCCGTGAATTT  
TTTTGAAAATTGATGACCAGAAGCTTGTCTGGGAGTTCTCTGCGGACAAGTTCCCTCAGATATCATTTGA  
TCTCGTGTGTGAGAAGGAATTTGAGCTCTCTACAATGGAAAGGGTGAAGTATTTACTGTTTGGGATACCGG  
GCTCCCATGGAGGACCAAGGACAGGAAGAGTATTCTGATTCTGATTTTGGCTCAGAGGATGAGGAACTTGGA  
TTGCTATCCGCTGAGAATGGAAAACCTAGCGACAAGGAGAAGTCTATTGGTGGAAAAATTTTGGTCTGAAAC  
CGGAATCTTCAAAGAAAGCAGATGCTAAGTCTATTGAGCCGAGCAAGGAAGAAGATGATGACTCCGAAGATG  
ATGACTCCTCTGATGAGGGTCCGATTCCGATGAGTCTGATGAGGAAATGCTTGAGGGGGACAGTGACTCTG  
ACGATGAAGATGAGGGTACTGACAGTGAGGAGGAGACACCGAAAAAGGTTAATGAATCCTCCAAGAAGAGG  
TCAAACGAGTCTGCCT

>trans\_c\_4794 AY093719|Arabidopsis thaliana At1g32920/F9L11\_25 mRNA, complete cds

GGCATCAATTTCTCACCAACAACCTCTCTCAATTCAACAATTTCAATCAACATGAATTCCATGTTTCAGTTTATTC  
GACGCCCTCGCCGCCGAATTCCTCCTCGGCAATAATTTGTTAGAGCTTCTCCTCTATTCTTCTTCACTCCCA  
ACAACAACAACAACAACGCCGCCTCTTCCGCCGTTCCGAAGCCGCTGCCTAGTAAGAAGAAAGAAGAAC  
CGAAACCCAAGAATTCGTCGGTAAAGCCGAGATTTGCTCTGGAGTTGGATGGTCTCAATTGCTTTGAAACTCT  
CGTCCCAATTGAGGTTTTCTCACGTTGAAATCAAGATTCAATTCAAATCATATACTTTTTTCTTCATTCATTC  
TTTCAGTTTTTAGGGTTTAAAAATTAGGGGATACGAACGAAATTTGGGGAATTGTAGTATATAATACAGAGTG  
TTCTCTTTTGGATGGAATTAATGATCAGATTCTGTTCTACTCTGATACTATATTGGTTGATTCATTGCTGTTG  
GTGGTTAATTGTTTTATATTTTCAAGATTTTAGAGTATTGTGAATGATCTGGATGGATAATCTTAGAGATTTT  
TTTTCTTTTGTAGAATTGGAATTGTGAGAACTCTTGTAATTGACAAAAGAATAATTGTAAATTATATTAATG  
GGAATTGTTGGAACCACGGAAAGAATATAAATAATAAGTTTGGGGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_4795 NM\_120508|Arabidopsis thaliana WCRKC2 (WCRKC THIOREDOXIN 2) (WCRKC2)  
mRNA, complete cds

CGACTTCCCGGATGCTTCCTTTTATATTTATTTTGTTCATTTTCTCAACTCCAAAAGAAAAACA  
AAAAGAAAAAGAAAAAAATTGTATTTGTTTCTCAATTCTCTTATTTTATTCTTTATTGTTTGTTC  
AACGAAACCAATGGCGTTTCGTTAAGGTTTACAGTTTGTGAAATCCATCGGAAACAATATCTGAATTGACTC  
TGATTCTCCCGGTGGGACTTCACCGGAACCATCTCTAGCGCCGCCCGTCGCCACTCCCATCAAACCCACCAG  
CCTCTTCTCTTTGAACTTTCCTTTTGTACCCAATTCTTCTCCCTCCGAAATGGTCAAAGCTCTGCCCTTCA  
CCTCGGAATTGTGAAATCTTTCCCAAATTCGACAGTTCTTTGATCTTCTCCGTCTCCTCAACTTCTGTCCGCG  
AGGCTCCCTGGTTCTGGTTTCAACAGGCTTCTTTGTCTCGGAAATTTCCGCCGATTTCCAGAAAGTTTCTGCG  
ACTGGTGAGAAGACTTCGCTGCTCGGAGCTTGGACACAAGATAGTGCCTTGCAATTTGAGATGAATCGCCTG  
TTTCGATTGAGCTCAAGTCAATTTCCAGTGAGCTTGAGTTCGATAAGGCTATTGCAGATGCGGAGGAACGCAA  
CGAGCTCGTGATTCTTGTTTGGATGGCTAACTGGTGCAGAAATTATTTATTTAAAGCCTCAACTGGAA

>trans\_c\_4796 AJ006025|Cicer arietinum mRNA for acyl-coA synthetase, partial

CGGATGGGAGCTTGAAAATTATTGACCGCAAGAAAAATATTTTCAAGCTTCTCAAGGAGAATATGTTGCCGT  
GGAAAATTTGGAGAATAATTAATAGGGCTTGATCTTCGATAGAGATGATCTGGGTCTACGGGAACAGTTTCC  
AGTCAGTTCTAGTTGCAGTTGCTAACCCCAACAAGATAAACTGGAACGTTGGGCAAACGAAAACGGTATTGA  
AGGAGACTTTGATTCATTTGTGAAGATAAGAGGGAAAAGGACTATCTGCTTGGGGAGCTCAACAAAATTGC  
AAAAGAGAAGAAGTTGAAAGGCTTTGAGTTTATTAAAGCCATTACCTTGACCCTCTACCATTGATATGGAA  
CGTGACCTAATAACTCCAACATACAAGAAGAAGAGACCTCAATTGCTCAAATATTATCAGAGTGTAATTGACA  
ACATGTACAACAATGCAAAGAAGCCTTAATGAATGAAGATGACATCTATGGAATCCATTGCTAACTTGCAT  
CTTTCTCGTGAAATGATCCCCTCTTCTCTACTGGACATATGGGTTACTAATCAACCTAATCAATCCATTTATGT  
AAATAAATAAAGCTTTTGTTTACAGGGACGTGGACATTATTGACCCAAACATTTCTGCTATATTAAATCTAGT  
AATTAGGTGTATTATTATAGACACGTGAGCAATTGATTTTCTCCTTCTTGTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_4797 Novel Gene

ATCGATGATGTGATTTCAAATCTGCGTTATCTATCTGCAATTTCTTTTAGGAATTGAAGATAACTGATCATCTC  
TGAGATCTGTTTATCTTACACGATTGTTTGCTTCATTTCTGTAGTTGGGGTTGGGCTGTTTGAACGTCCACCT  
TCTGAGTTTCATTGCATCTCAGAGATCTGGGCATTTTGTTCCTTTGGTTATTTTTATGTGTGTTTGTACTA  
ATGCAAACCTGGATCCGTGATGTTAATGGAAATCTGCGTTATCTATCTGTAAGTTCCTATATGGAGTTGATGA  
TACCATGATTTCTGAGATCCAACTTGATTGTTTGTGTATAGTTTTAGGTGAATGGGTTTCATTTTAAACA  
TCTTTTTTCATATCTATGTCGGTTGGTGAATCTGGTGGGTACTGTGGCCAATTGTGATTGAACATAATTTTCTT  
TTTGCCACAACCTTGCCCTCCACTAGGTTGAGTTAGACGACCTCACACTCTTAATACTTGGTTAGTTTAAAGA  
TGAAATTTATGTCGGTTATAAAAAAATATAAACTAGTATCGGATCAAGAATGGTTATCTAATGACCAACGGC  
TCCACATCCACATTGTCAAGAGATAGGTTATTTGTATATGCTTGTGTTATTTTGTGGCCGATAGTTTTGGTGT  
CATTTTGAAGCTGGCTGTGGTTTTATTGCTTCCCGGTTTGTGATTGAATATTCAAAGAAACGTTTTACT

>trans\_c\_4798 Y18343|Oryza sativa mRNA for transportin, partial

TAGAAAACAGTGCAATTACACTTGGAAGGATCGCATGGGTTTGTCTCAGCTAGTGTCACCAGATATGGAACA  
TTTCATCCAACCATGGTGCATGCTTTATCCATGATACGTGATGATGTAGAAAAGGAAGATGCTTTTCGAGGT  
TTTGCCTCTGGTTAAATCAAATCCTTCAGGGGCAGTAACTCGCTTCTTATATGTGCAGAGCTATTGCCAGT  
TGGCATGAAATAAGGAGTCAAGATCTTCATAATGAAGTATGCCAGGTTCTACACGGTTATAAGCAGATGCTGA  
GAAATGGTGGGTGGGACAGTGATTTCTTCTCTAGAACCATCCGTGAAGGACAACTATCAAAATATCAAGT  
ATAGGATGATGATGATGTTTTATCAGCTTACTTCAGCCAGCATTCTTCTCAAAACATATGCTTCAAATTCTGTCT  
CGAAAACAGATGGGATGGGCCGTTTTGTGGCGTTGTCTGTGTGTCATTATTATTGATGATTGGAGCAAATTC

AAGTTATAAAAAAAAAAAAAAATCAAGTTTGCTGCTGAGCTTGAAGAAGATTGCACATCCTTCTTAAGATAAG  
ATAATTATACAGGTTGACTTGTTGGTTGAGACAGCACTTGAAAAATGAAGCCAGCTGAAGTGAAAAAAATG  
TTGTACAGGGAGATATGTTGAGATAGTGTGGTGCCCTTCTTATAGTGTCCCATTCCTTTTCCTTTCTTTTCATCA  
TGAGTCTGGA

>trans\_c\_4799 NM\_100189|Arabidopsis thaliana glutamate binding (AT1G03070) mRNA, complete  
cds

TCTCTGGTTTAGACACGATTTCTCGAGAACTCTCGGGTTTACCAGAATTCTTCCATTTTATACCCTCTCCAACAA  
TCCAACCGAAACTCGAATTTGTGACAACTTTGCCTTTTGATTCAAAGCTTTGTTTCTCTGTTTTCTGTATTTG  
GCGTTTCTAAATGTGGAATCATCAGCGGAAGTATGATGTGGAGGGCGGAGCAACACCGCTGTACCCACGA  
TGTTGGAGAGTCCACAGCTCCGATGGGCTTTTATTGGAAGATTACTCTATTATTACCATACTGCTCGCC  
ACCGTTGCCGTTGCCGCTACTGTTGTTTACGTCCGACCAATTTCTACTTTCTTTAACTCAACTGGGGCGGGCCTG  
GCTTTATACATCATTCTCATTCTTACGCCTTTTATAACGATGATACCACTGTCTTGCTACTACCAGAAGCATCCC  
GTCAATCTTCTTTTGGGTATTTTACGATATCTTTGCGTTGCGGATTGGGTGACTTGCGCGTATACAAGC  
GGGAAAGTCATTCTTGAGGCTGCAGCTCTAACTGCTGTGGTTGTGGTGAGTCTCACTCTGTACACGTTTTGGG  
CTGCCAAAAGAGGCCATGACTTCAGCTTTCTTGGTCCATTTCTATTGGTGCTCTGATTGTCCTCCTGATATTTG  
GTCTGATTGAGCCTTCTTTCCATTGGGTGCGACCTCTATTATGGTTTATGGATGTCTAGCGTCCATCATTCTTCT

>trans\_c\_4800 Y17899|Antirrhinum majus mRNA for small GTPase

AACTTGAGGAATGGCATTAGGAGGAGTGAGCTTTGTAAACCCCAAAAACCCCGACGGCAGTGAGCAGCGAA  
CACCCAAATCCTCTGCTTTGCTTCTTCAGTTCATATCCTTCCTTCCTTCTTCGTTGATGCTTTGAATGAGATTTG  
AGATGAAGGCTTTAAGGGCTCTGAGAATAGCCACCGCCATTCCTCCTAAATCCCACCGGGCTCTCCTCCTGAAT  
CCAATCTTTTCCCTCGATGTTACTCTGCTCAACCTGAGCAAGACGATTCCAGTCACAACCCTACTCTCTCCGAC  
ACTGAAAATGCCCCGATTCTGTATTTGATAGTTCGAGTTCGATATTCCAACCATGGATTCAACTACTAAAAC  
CGAGCCTGACTACGGTTGGGATAAGAAATATAGGTCTAAAGCCGACCAACTGATATTTGGGAAAGATTGCGA  
GGGAGTGAAATACAAGTTTATGGAGGAAGAGGAGGAAAGGCGACGGAGAGTGCTTGCCAAGTCTCTGCTTG  
AGGCGGCCTTGAAACTGCTGATGATGACGAAGAGGATGGCGAGAGAACTGTGAAAGAGGAAGACCAGAA  
GTCTCTGGCAGTTGGGATAATTGGCGCACCAACGCTGGCAAGTCCGCGTTGACTAATTATATGGTAGGAACT  
AAAGTTGCCGAGTTTACGGAAGACGAATACCACTACTCACGAAGTCCTAGGAATAATGACTAAAGGACATA  
CCCAATTTGTTTC

>trans\_c\_4801 AY255705|Mangifera indica auxin response factor-like protein (ARF1) mRNA,  
complete cds

TGACGAGAAAGTTGATGTGGTTTCTACATCTAAGAAACATGGAGCAGATAGCTGGATACCTCCAGGAAGGAG  
TGAGCCAACCTACGCAGATCTACTGTCAGGTTTTGGAGCTGATATGGATTCTTCTCTTGGTGTTTCGTGCTGCCA  
TGGGAGATTCTGCAGTAGTCACTGCTAATTCAATCAGAAAGCATGCCATGGAACAAGATGGAAAATTTAGCTT  
CCTTGGTGGTAGCTCATGGTCTGTCTTGCTTCTGGTCTCTCGCTCAACCTGGTTGACTCCAGTCAGAAGGGTC  
ATATTCGGGCTGGTGACTTATCTTATCAAGTGAGAGGAAATGCTACCTTCAATGGATTGCGCATCATTCCATA  
TCCCATTGTCCTAGAACTGAACAGCCTCATGGAACTGGCTGATGCCTCCACCTTCATCTCATTTTGACTATCCA  
ATTCATTCAAGTGAAGTATGTCAAAACCTATGTTATTTTCAAGAACCAAGATATACTGAAACCCAATGATGGGA  
ATTGTAAGCTTTTCGGTATTTCCCTCGTTAAAAATCCTGCTATTCCAGACCCTGTAGGATTGAACAGAAACATG  
ATGAACGAGGCAGATGTGATGCATCCCAATGTACATCAAATCCATTCCATCGAGTCTGGCCTGAAGTCTGAAC  
TACCTAGGGGTTCAAAGTTGGCTGATAAGTCAGTTGCCATCAGTGAGGCCGATAAGTTGCAGCAAACATGCA  
AATCACAGGGT

[illegible]

GTTCTTCGCATGGCCCCGGGTTTTTCTCTTTCCAGTCTTTTCATCTCCTCCAAGTTTCAATTATCGGTTTTGATTC  
CGTCTTCCTTTACTCTCGGTCATCGGAACCGCTCTACACGGTCCGGCAAGGTCAAATTCGAAATTGATCTC  
GAGTCTTCCTCTTTGGGGGCTGATTCAGAGATTCTTGCTATTAGGAAGCTCGACGACTTTGTACAGAGGATTAT  
TGTTGAGCGATCCACTCCTGATTGGCTTCCGTTTGCCCCGGTTCGTCTTTTGGGTTCTCCACGCCGTAACAA  
ACCACGCAGGGTTGTCGACCTATTTGATAAATTGGTTGAACCGATCGCTAAAGAGGACTCCCCTTCCCTTGCTA  
ACGCCCCGTGGTTGGCCCTGCTTAGATTTTTTCGCCAAAGAATCTATCTCTGGACCAACTCGATTAGCTCCAGTA  
GATACCGAGTTGGAAACTTCAAACGAGTTGGAGATTGACGTGCAGACACCAACAAGTAAAGATAACTCAAAT  
CAGCCAGAGGATTGAGAAAGAAGAATCTCATACCTCATCCACTAACGGAGTTGGTTGGGTAAGCAAATTTTCG  
CATTGTTAACAAGTCCAGAATGTTCTGACAAGTCACATATTAATGTGCAGATGGTCTAGTAAGCAAAGGTGCT  
GTTCTTAATTCATACCGTTGCCTGCAGGAGCGTTAGATGGCTGTCAGAGATTTGAGAGACCGAACGGGGTGG  
AAAGTGAT

AAACTCCTACTGTTGTAGACACAGAAGTTGGACGTATTGGCATAGGAATCTGTTATGACATCCGTTTTCCAGAA  
CTAGCAATGATGTATGCTGCAAGAGGTGCTCACTTGATTTGCTATCCTGGGGCATTAAACATGACTACTGGACC  
ATTGCACTGGGAGTTATTGCAGCGTTCAAGGGCTGTAGATAATCAGTTGTATGTGGCAACGTGTTACCTGCT  
CGAAATGCTGATGCTAGTTATGTAGCTTGGGGCCACTCAACCTTGTTGGGCCGTTTGGGGAAGTGCTAGCTA  
CAACGGAACATGATGAAGCAATAGTCATATCTGAGATTGATTATTCCTTCATAGAGCTTAGAAGGACTAACCT  
ACCGCTTCTGAAACAAAGGCGTGGTGACCTTTACCAGTTGGTAGATGTTGAGAGGTTGAAATCCGAATGAAA  
GGCGCAAGGACTGCTTTGAACTCTCTTTGCTTAAATTTATCGGATTAGAGTAAATTAACCTTCCGCTACTG  
CTCCGTCCCTACTTGTTTTGAATTACTGCGAGTCCAGATTACAACCTGTTGGTGCTGTACTGCTGTGGCTTGGCG  
CTAACAGGCAGCTCCCAGTTAAAGTTCAATTGTGCTGATGAGTAATGTTCCACATCTGTATGATTTACTGAACT  
ACTGGAATAACTTTGATTTAATAAAGGTTTATGTAGGACCTGTATTACCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA



GATAGGTGCTCATTTTGTATGGGCTTTTAGTTAATGTTTCTATTACAGCGGGCGTGGTTATTGGCAAGAACTTA  
TTGAATCCATCGTTTGGGCTCATAATAAATTAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTGTC  
CAAGGACGTGCTGTAGGAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCCTTAGCAA  
GAATTATTGCAGTCGGATAATGGCTAGGAGGATTTGAAAGGCATTATGGCACTAAGATTTCAGGTTTAGCC  
AAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGTGCAGTCCTAGGGATCAT  
GATGATATTACTGAAGAACGTCTTTATCAGAATATTTTGGCTTCTCATTTTCGGGCAATTAGCAATAATTTTCTG  
TGGACTTCCGGAATCTCTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACATGT  
AAGACCTATTGCTCATGCACGGGTGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTTTACTCGAGGTGGT  
GCTCTTGGCCAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGTTCATCAGTGGTGGTATACAATCGGTTTACGCACTAATGG  
GGATCCTAGGCGTAGAGGAACCAACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATAC  
ACATCCC

>trans\_c\_4806 AF417575|Euphorbia esula growth-on protein GRO11 (Gro11) mRNA, complete cds

TAATGCATCAGCCATCCTTATCATTAATAACAGTAAAGAACTTTCAAGATGGTCTGTGAGGAGAATGAACT  
GATGTAACCATAGGCATACCTGCTGTTATGCTCCCTCAAGATGCTGGTGAAAGCTTACAGAAGGATTTGAAAA  
GCAATATCTCAGTATCTGTGCAACTTTATCCCCGCTTCGACCAGTAGTAGATGTTGCAGAAGTATTTTATGG  
CTTATGGCTGTTGGTACTGTCTTGTGGCCTCTTATTGGTCTGCATGGACTGCAAGAGAAGTGGCTATTGAGCA  
AGACAAGCTGTTGAAGGATGGTTCAGATGAGTTGCTGCAGATGGAAGCAACTGGTTCAGTGGTTACATAGA  
TATTAACACTACAGCAGCAATTCTATTTGTCGTGATTGCTTCATGTTTCTTGGTTATGCTCTACAACTAATGTC  
TGCCTGGTTCTTATGTTCTGGTGGTCTGTTTTGCATTGGTGGTGCAGAGGGGCTACAACTTGCTTGGTG  
GCTTTGTTATCATGTTTCAGATGGTTGAACATGCTGCTGAGTCATATATCAAAGTACCCTTTCTTTGGAGCGG  
TGTCACATCTTACGTTGGCAGTTTCTCCTTCTGCATATCATTTGCTGTTCTTTGGGCTTGTACCGCAAAAAATC  
TTTTGCTTGGATAGGCCAAGATATCCTTGGTATTGCGCTCATAGTTACAGTCCTCCAGATCNGTTCGGGTTCCT  
AATCTC

>trans\_c\_4807 NM\_001055743|Oryza sativa Japonica Group Os03g0187300 (Os03g0187300)  
mRNA, complete cds

ATGTATGAGTTCGTTCAAATGACGATGGATCTATTTCCCTTGTATTGATGTCCTCTGTCACAGCTATGGACTC  
CAACTGCTCCAGTTCATCAGTCGTAGCCGGAGGAGCGGTTGGGCCACAGGCAGCCGACGTATTGTCTGCAA  
TAGAGAACAATCAACGCAGACTTTCCCGTAATAGAGAAGCCATACTGCCTTTTGAAATTTGGAGCGGTTAG  
GATGCATGATTTCTCAGAAGGAAGCCTTCATCCATTTGAATGTGCTCAGAGTTGATATTGTAGGCTTTTTTTT  
GTTTATAATGGATTCACTAAGATTGGAATAGCCATAGTTGGTGAATAGCGGAGTTTAACACACCGAACATATC  
GTTCCAACAGACTTCTATGAGTTGAGTCAGGTCAAGATGAGAAGCCTCATTCAAGTTCTCAATATCTATAACAT  
TTAACGGTCAAAGCTATACTATTTTATGGGTGTTATTTGATTTTCTCCTTTTGCCTTTGTAAATTTTGTAAA  
TGTTCATTTTGTTGCTTTTTCTTTTTCTTTTCTTTTAAATAACTTGCCGTTTTTCCATCACAATTTCTTCAT  
TTTCTATATTTGGTTCATGTTTACGTTATAATGTACAGAATAAAATAAAGTCGGCAAATGGTTCGAGTATGTN  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_4808 NM\_001057461|Oryza sativa Japonica Group Os03g0685500 (Os03g0685500)  
mRNA, complete cds

ACAAATCCGTAACCCTAAAATTTCCGATCTCATTACTGCAGGAAACAGCCACCGCGATTTCTTTTACTATTCCTC  
CACGCAGTCGCCCTATCTTTAATCCTCAACCATGCCTCGTCGAGCTCCGGTGGACGATCTGCTCCCCGTCCC  
GCCGCTCGCGCTCCAGCTCGCAATCCTCCGGCGCCAGTTAATTCCGCTCCTCCACCTGCACCTGTACAAGGTGG

TGGTGGTGGTTCTATGCTTGGAGGTCTTGGTGCCACTATTGCTCAAGGTATGGCCTTTGGTACCGGAAGTGCA  
GTGGCTCACAGGGCTGTTGATGCCGTAATGGGTCCTCGAACCATCCAGCATGAGACCATTGATTCATCAGCTT  
CCTCAGCACCTTCTGTAGCAACAATTCTGGTGGTTCTGATGCTTGTAATGTTTCAGTCAAAATCCTTTCAAGATT  
GCCTGAACCACTATGGAAGTGACATCAGCAAGTGCCAATTCTACTTGGATATGTTGCAGGAATGCCGCAGGA  
GCTCAGGTTCTGTTTTGGGTGCTTAAAATAATTGATTTTTAGAACAAATCATTATTACACTTTTTCATTTGGAT  
GTAAGTCAAGGAGCGGTGTCAGTTTATTTGTGTTTTGACAATGCTTCACTTTACGGCTACTTCTCTACAATA  
TAATGGTGTTTAAAATAATGAAGCACTTCATCATTGGACTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_4809 NM\_001052246|Oryza sativa Japonica Group Os02g0120600 (Os02g0120600)  
mRNA, complete cds

GGTGCAATAATAACCAAGTATTTCTTGTTTCTTCTTTCCAATTTTCCTTAGTAGAATCAAAAGCTGAGAGGTTG  
CAAAATGGCTTCCAAGAGAATATTGAAGGAGCTCAAAGACTTGAGAGAGACCCACCAACTTCTTGAGTGC  
AGGTCCTGTTGCAGAGGATATGTTCCATTGGCAAGCAACCATTATTGGTCCTAGTGATAGTCCCTATTCTGGTG  
GAGTTTTTCTTGTTACCATTCAATTTCTCTGATTACCCATTCAAACCTCCTAAAGTTGCTTTTAGGACAAAGGT  
GTTTCATCCTAACATAACAGTAATGGCAACATATGCTTGGATATCCTCAAGGAACAATGGAGTCCTGCCCTCA  
CGATTTCAAAGGTTTTGCTCTCAATATGCTCTCTATTAAGTACCCAAACCCAGATGATCCATTGGTTCCTGAGA  
TTGCTCATATGTGCAAGACTGACAACTCAGATATGAATCCACTGCTAGGAGCTGGACCCATAAATATGCCAT  
GGGTAAAATTTAAATTTAAATAATAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCTCAATCTTAA  
AATTACTAATTAATTAACACAACAAAAATCCAATTTTCTATACTTAATGTATTGATTAAATCCTTTTCCC  
TAAGTCTACTCCTCATCACTCTTCTTTTCATTTTCCCTTACCAAATATGTATTGAAAGGCCCTAATAAACTT

>trans\_c\_4810 AF227979|Euphorbia esula 40S ribosomal protein S16 mRNA, partial cds

TTCCACCATCTCTTTACAATTGAAGTCCTTCACTCCGATACTTCTCTCAAGCCCTACCAATGGCGGCTCCGATCG  
AATCGGTGCAATGTTTTGGACGTAAGAAGACGGCGGTTGCCGTACCTACTGCAAGCGCGGCAGGGGCTTGA  
TTAAGATCAATGGCTGCCAATCGAGCTTGTTGAGCCAGAGATCTTGCCTTCAAGGCCTACGAGCCCATCCT  
CCTCCTTGACGTCACCGTTTCTCTGGTGTTGATATGCGCATCAGAGTGAAGGGTGGAGGTACACCTCCAG  
ATCTATGCCATCCGTCAGAGTATTGCCAAGGCTCTTGTTGCCTTCTACCAGAAATATGTGGATGAGCAGAGCA  
AGAAGGAGATTAAAGATATTCTGGTCAGGTATGATAGGACTTTGCTTGTTGCTGATCCTAGGCGCTGTGAGCC  
CAAGAAGTTTGGTGGTCTGCTGCTGCTAGGTTTCAGAAATCATACCGTTGATCGAAGAGTATTAGGGA  
ACTACTGCGGAGACTTTTTAGTCGGTAATGATAATTTGTTTTGGTTTTGAGTTTACATAGCTTTGTGGACTTCG  
AAATTATGTTTCTGTTTATGCTTTAGTATAAGTATTTGGAATTGAAGACTTGAGTTTTGTTGATATCGCGATA  
ATTGCTCAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4811 NM\_001188564|Oryza sativa Japonica Group Os08g0278966 (Os08g0278966)  
mRNA, complete cds

ACGTAGAATTTTGACGGTGTCTTATGTGACCTTGCTCGTTCTGTAGTGAATTTAAGAATCGGATCGCGCCATTT  
TTCTACTCCTATCGGTTCTTCCCAATTCGAACATGCAGGCCAGCGATAGATTTAACATTAATTCCCAGCTTGAG  
CACCTGCAGGCTAAATATGTGGGAACTGGGCATGCTGACTTAAATAGATTTGAATGGGCCGTGAACATTCAGC  
GCGATAGCTATGCATCATATGTTGGACATTATCCATTCTAGCTTACTTTGCTATAGCAGAAAATGAATCCATT  
GGAAGGGAACACTACAATTTTATGCAGAAAATGCTGTTACCTTGCGGCCTACCTCCAGAAAGGGAAGATGATT  
GAGATTTGAGATGTTATGAGGTCGTACCGTAATTAGAGTTGTAACTCTGGATCGTTATGTGGGCTCAAAGAG  
CATTTTCTTTTGTAGATAACTCTGCTACAAAGTGACTAATGGGAAATGCGAACTATTTTATCTTGTAATGCTCT

[illegible]

>trans\_c\_4815 AY109113|Zea mays PCO108969 mRNA sequence

AAGAAAAGTGCAATCATTCAACGCTAGGAAGATTAAGCTCTCAAAAACAAATATAAATTAAGATTATTTTCA  
AGATTCTTCATTTACGATCATGGCGTCTCGGAGGATATCCTCACTCTTATCTCGTTCCATTTCTTCTTCTTC  
TTCGCTCCACCTTTCCAAAGGGAAAAGGGTTTTAATGGAAGAACAATTGCTAAATATAGTACTGCATCTGCT  
GTTGAAGATCCTATCACTCCATCTGTGAAAGTGAATTATAATCAGTCATTGATTAATGGACAGTTTGTGGATT  
AGTCTCAGGAAAAACGTTTCTACTTTGGATCCAAGATCTGGGGAAGTCATTGCTATGTGTTGCTGAAGGTGA  
TGCTAGAGATGTTGATATTGCAGTTTCTGCTGCACGCAAGGCGTTTGATGAAGGGCCTTGGCCTAAAATGACT  
GCTTATGAAAGGTCAAAGATAATTTTGAGGTTTGCAGATTTGGTTGAAAAGCATGCGGAAGAAGTTGCAGCA  
CTCGAAACATGGGATAATGGGAAAACATATGAACAATCTTTAAAAATTGAAGTCCCGATGCTCGTACGTCTCT  
TTCGATACTATGGCGGATGGGCGGATAAGATCCATGGACTCACAGTTCCTGCCGATGGCCCATATCATGTACA  
AACCTTGACGAACCTATTGGTGTGGCGGGTCAGATCATTCCATGGAACCTTCCTCTGCTTATGTTTGCTTGA  
AAGTCGGC

>trans\_c\_4816 XM\_002889724|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATP phosphoribosyl transferase,  
mRNA

AAAGGTGCTTTAGACACAACCCATGAGATTCTTGAAAGACTGGAAGCACATCTGACGGCTGTTGGTCAGTTCA  
CGGCGACTGCTAATATGAGAGGAAGTAGCGCACAAGAAGTTGCCGAGCGTGTTTTAAGTCAACCATCATTGT  
CTGGGATGCAGGGCCCTACTATAAGTCCAGTTTTCTGCAAACGTGACGGGAAGGTAGTAGCTGATTACTATGC  
CATTGTCATATGTGTCCCTAAAAAATCCCTCTACAAGTCGGTTCAGCAACTGAGAGCAATTGGAGGGAGTGGG  
GTTCTAATATCTCCGCTGACATACATTTTTGACGAAGAGACTCCGAGATGGAATCAACTTCTCAAAGAACTCGG  
GCTTTAAACCGTATTACTAGTTGTGTAATACATGAAATAAGATGGTATGTTGAGTGAGTTTATAGAAGGCATC  
CTGTTTTGGTGACCCTAGAAAGAGTTTACCTTCTTCCAACCTTCACTTATGTATGTGTAATCTTTAATCTGATT  
CTCTTAAGAACTTTTTGTGTCATTTGTCTTTCTAGACGTTTTGCCCTTCATCTTTTGTCTCACAATGTATTG  
TAGGATCGTGTCTTGTCTTCTAATTTTCAGTTCAAGGTTGTGACTTTGGGAGAGATTTGATTCTTTTTCATGTGAT  
ATTTTCAATTTTAAGCTTCTTTGATGTTGATCTTCATACTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_4817 NM\_001066244|Oryza sativa Japonica Group Os07g0498300 (Os07g0498300)  
mRNA, complete cds

AAACTTTGAAGCTGTCACCAAGTTACGAAGCCGTGAAGTAAGAGTGGAGGGAGGGTGATCGCGGTTCCGGCT  
ATATACACATTATCGATCCACTGACATCAGAAAATGGCATGGAGTGCGACGATGATCGGAGCCCTTCTGGGCC  
TCGGCACTCAGATGTACTCCAATGCTCTCCGTAAACTCCCTTACATGCGCCATCCTTGGGAGCATTGTTGTCGGA  
ATGGGACTGGGAGCCGTCTTCGTCAATCAGCTGGTCAAATGGGACGCTAAGCTCCAGGAGGACCTTGACAAG  
ATGCTCGATAAGGCCAAAGCCGCCAACGAGCGCCGCTACTTTGATGACGATGACGATTGATTGGAAGGCGCC  
CTATGCATTATGCCCTTTTTTTATATGAAGTCATCTGTGTTTTTTTTTTTTTTGATTTTTTTTTTAAAATAGAAG  
TCACCCTTGTTTACAGAGGATGAGGTCTTGTTGGCCCTATTTCTCAATTATTGACACACTTTTTTGAATATTTT  
GACATTCCAAGTTTTTTGTTGGCTATTCCTTGTTTCTTCTGTTTAGCAACTTAATAGGAAGGAGGGTAATGTTT  
GAGGTCTGTAATAATAAGGGATTTGCCATTTGTGTAATAATACATGCTACTACTCTCTCTTCAAGTCTTAACT  
TTATGCCTCTGACATTCAAGCAAACCCAGCTATTGCAAATGTAAGTTTTAGTTTTTCTTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_4818 NM\_125510|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S19 (RPS19C) (AT5G61170)  
mRNA, complete cds

AAAACCCTAGAGTTTGAGAAAGGCGGAAACCCTACTTCAGCAATCGGAGCTTTTCCCGGCCTTTGCTCACTTA  
ATTCAACAGCCATGGCCACTGCTAGGACCGTCAAGGACGTCTCTCCTCACGAGTTTGTTAAGGCCTATGCCGCT  
CATCTCAAGCGATCCGGAAAGGTTGAACTTCCACCATGGGCGGATATTGTCAAACTGCAAGATTCAAGGAG  
CTTGCTCCATATGATGCAGATTGGTACTACGTGAGAGCTGCATCCATGGCAAGGAAGATCTACTTGAGAGGA  
GGTCTTGGTGTGGAGCATTCAAGCGGATTTACGGTGGAAGCAAGAGGAACGGAAGTCGCCCTCCACACTTC  
TGTGAAAGCAGTGGAGCCATCGCCCGCCACATTCTACAACAATTGCAGGAGATGAACATTGTTGATGTGGACC  
CAAAGGGTGAAGGAGAATTACTTCAAGTGGTCGACGAGACCTCGATCAAGTTGCTGGCCGGATTGTTGTTG  
CCCCATGATTAATCAATTACCTCTATTGTTAAATTAGAGACTTATGTTTTGCTGATGAGAAACAATTTTCTTATG  
CGTCATTAATAATTTGGATTTAGCTGTTGAAAGATTTTCCAGATGAAGATGCTTACTCTGTTTTTTCACGGTCT  
AAAGTTCATTTACTCTCCCTTTGTTTTATAATTTCTTTTCTGGAATTTTTTTGGAAGAAACATGTTTTCACTTT  
TTATCC

>trans\_c\_4819 NM\_001055767 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0191200 (Os03g0191200)  
mRNA, complete cds

ACACAAAAATTTAAAGGAAAAGAAAAAAGGCCATTGATCAATTTGAAAGCCATGGTTCCCTTTCAATCCCACC  
CTTCTTCTCTAAATGACAAGACATCAGCAATTCAAGAGCCTGCAGATAATTTAGCAAAGAAGAGGAAGTGGGA  
AGAGTCGATGGTCCCACGCCGCCACCCTTGAAGTCCGTATTAGATATCGAACTTCACCTCGAACTCCATTAC  
CTTTCTATTGGCAAAGGTGTCTCGACATCCAGTCGGGAAAGATACACTTTTACAACATGACGACTCAAAGAG  
AACATGGAGAGATCCAAGGGACAACTCGTCGATAAAGATGATGATGATGATGACGAAGAAGGAAAAAGATG  
ACGACTGCTATGACAAGAACGACATGAGTTTGGACCTTGAAGTCAACTTGAAGTGTGAATCCATGGACAAGAA  
CAACAACAATCAAAACGTACAAGGTGTGCGTCGCGCTATAAATAACGGAATGGTGTGTTGGGTTGTCGGAGAA  
TTACAACAACAACAACAACAAAAAGGCGGAGATGGTGGCGGCCGTTTGCATGAGGTGTCATTTGTTAGTGAT  
GTTGTGTAAATCTTCGCCGAGTGTCCTAACTGTAAATTTATGAACTCTCCGCCGAGCAGACGTCGCCGGCG  
ATGTCCAAGCGCCGGTGTCTCTTCTGTAATAAAAGTGATAATTATATATTATATAAAAGTTAAGAGA  
AAAATGAAAAACT

>trans\_c\_4820 NM\_001070352 | *Oryza sativa* Japonica Group Os09g0541900 (Os09g0541900)  
mRNA, complete cds

TGGTGACTTGGAGCTCTTCAGGACTGTTGCTGAAAAGTTCTCTAGTACTTTAGCTCAGATCGAACTAACAACT  
TGATCGTGAGGCTGCGACATAATGTCATCAGGACTGGGCTTCGCAACATTAGCATTTCTATTACGCATTTCT  
CTGGTTGATGTTGCTAAGAAGCTTAGGTTGGACTCGGCAAATCCTGTTGCTGATGCTGAGAGTATTGTCTCCA  
AGGCAATTCGAGATGGAGCAATTGATGCGACAGTCGATCATGCAATGGGTGGATGGTATCAAAGGAGACT  
GGTGATATTTACTCGACCAATGAACCTCAGATTGCTTTCAATTCGAGGATTGCATTTTGCCTGAATATGCATAA  
CGAAGCAGTGCGTGCTCTTCGGTTTCCGCCAAATTCACACAAGGAAAAAGAGAGCGCTGAGAAAAGGAGAG  
AAAGACAACAGCAGGAACAAGAAGTTGCAAAACACATAGCCGAAGAGGATGACGACGACTTTTAGCTTATTT  
AATATGGAGGAGATGGTATGGATCTTTTGTGCAGAATGAAATAAATACAGTTTTATTAGAAATTCTAGGGAG  
AAAATTTTGGATCCATTGGTGGTTCAGATGGCCCTTTGCCGTTTTCTTTATTGTCAATTTTGTGTTTGAATGC  
CGGCTGCTTGCAACTTCTTCATTTATGGAATGTCCTTGAGATTTCCATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_4821 FJ972825 | *Cleistogenes songorica* stress-induced hydrophobic peptide mRNA,  
complete cds

ACCTTCATCACTACCCATTACTTCATTCCAATAATCTCTCTCTCTCTCCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTG  
TTTGTGTTGTTTGTGCAAATCAGAAGAAGAAGAAGAAAGAAAAAGAAAAATGGCAGACGAACGAACAACAAA

TTGCATCGATATCCTCCTCGCTATTCTCCTCCCTCCTCTTGGTGTCTTTCTCAAATTTGGATGCCAAGTCGAGTTT  
TGGATCTGCTTGGTCCTAACTTTTCATTGGTTACATCCCTGGCATTATTTATGCTGTTTATGCCATCACCAAGTGA  
TCACCGAATTCAAAGGATTGATGGAAGGAATTATTGGAATCATCATCATGGTCTCTCCTCACCGACACTCTTC  
CTTCCTTTTTCTATTTTCTTTTTACTAATTTCTCTTGATCTCTGTTTTGTGTGTTTGCTGTGTGATAATCATCCCA  
TCCATCAAAGACATCTACACAATTGCTGCTTCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAATTTGTAATTTGAAT  
TATTTGTGGGGGTAATTTAATTGTGTGTCGTTCTTGTGTATTGATTGAATTGGTTGCTGTAAAGAAGAAAAAG  
CAAAAAAAAAAAAAAGGATAAGGACAAAGTAAGTTTGTGAAAAATTGGAATGTGTTGAGTGTGGATTACGT  
TTCTTTCTTTCATTCTCAAAGGTTCCCTTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4822 NM\_001053854|Oryza sativa Japonica Group Os02g0596100 (Os02g0596100)  
mRNA, complete cds

ATTACAAAATCTATTGGATTTGAGAGGTTGATGGGAAAATGGAGAGTGTTGAGGATTATTTGACGAGACTAG  
AAGCATACGTGAACTATATGCGGCATTCATTGACGCGAAATTCCTGGTGTTCGCAATTTACATGGTCTCGA  
GGAAGGTTGGGCATGGCTGGCTAGATTTCTAAATGCAATTCCTCCCAATTTATTTACTGCAGCCTCGCTCAATG  
CATTCTTAAAAGTAGCAGGCTTTGCAATGTATAGAAAATATAAATCCCAGTTCAGGAAGCTTTTGAACATCATC  
TCCGACAACCTTCTTGAGCGCGCTACGAGGAAAAGTAATGCCAATTTGAACCATATAATATTGGACATTGAAT  
CCTATTTGGAAGACCGAAAATTCCTGAAGAACCAGAAGGAAAAACCTTGGTGGGGGGTTCCTTGTGTCTCTC  
GGATGCTTTTCCGGAGCCAGAGCACACGCAGGAATATTACCGCCATTCAAGTAATTCATATTATTGATACATGT  
ACATTTTGTGTGAATTTATCAGAGGGAATGTAACACTTCCTATTTAGCCTTGCTTTATCATTTAGAACTGAAG  
ATGTATCATCAATAACTTAGGGATTATTCAATACAAAAGAAAATATAGCATTATTGAAGAGTTGTACTAAAGA  
GATTGTGTATAAACTTGCAACTCTATGCAATGACAATGATGAATTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4823 AF180143|Glycine max ubiquitin carrier protein 4 (UBC4) mRNA, complete cds

AAAGTACATTTCAATTTTCAAGCAATAAGAAGGGTTTCCTAATTGAAAATTCCTCCTTTCTCACTCCTATTTTCTC  
TCTCTAGATTTCTCCTTGTTCCTACTGCTTCATGTCTGAAGAACCCTGTAGCCTTTTCTCTTTCAATTTCTAATTTCA  
AACTGAAAATTTCTATTTCTTTGTATTCTAATCGACCCATCAAAGAGTAGAAACCATGTCTTCTCCAAGCAAAC  
GCCGAGAGATGGACTTGATGAACTGATGATGAGTGATTACAAGGTGGAGATGATTAATGATGGAGTGCAA  
GAGTTTTATGTAGATTTTCATGGACCCAGTGAAAGTCCTTATCATGGAGGGTTATGGAGGATAAGAGTCGAAC  
TTCCGGACGCTTACCCCTATAAATCTCCTTCAATAGGATTTGTAAACAAAATTTATCACCCCAATGTTGATGAGA  
TGTCGGGTTTCGTTTGTAGACGTTATTAATCAAACCTTGGAGTCCCATGTTGATCTGGTAAATGTTTTTGAA  
GTGTTCTACCACTTCTTTGTATCCCAACCCGTCAGATCCTTTGAATGGAGAGGCTGCAGCCTTGATGAT  
GCGTGATCGAGTTGCTTATGAACAAAAGTAAAAGAATACTGTGAAAGATATGCAAAGCCAGAAGACATAGT  
AGCTGCACCTGATAAATCTAGCGACGAAGAAGAACTAAGTGAAGATGAATCCGACTTGAGCGATGAGCAAGT  
CA

>trans\_c\_4824 XM\_002877899|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S21, mRNA

AGAACTCTAATTTCTCGTCGTTAATCCATCGTTTCCTTGCTTCTTATCTAGATTTTGGATCAAACATCAAGGCCA  
GGGCACAGAACGAAGAGGGAAAGATCACCGAGCTCTACATCCCAGGAAGTGCTCTGCCACAAACCGACTCA  
TTACTTCTAAGGATCACGCCTCGGTTTCAGATTAACTTGGGCACTTGGACGAGAATGGCATCTACACAGGCCA  
ATTCTCCACTTTCGCTCTCTGCGGTTTCATCCGTGCTCAGGGAGATGCCGACAGTGCAATGGATAGGTTGTGGC  
AGAAGAAGAAAGTAGAAGTTCGCCAACAGTAGAAAATCCAAAATTTCTTCTACTTGAAATATTATGTTTCTAAT  
TTAGTGTTCCATTGAGAATTTATGAATATTGAGAGAGCCTAGCCTGCCTTTTGCTGCTAAAATTTGTAGTTTTTG  
TTGGAGTCTTTATGTGATGAAGCTGGTTTTTGATAATTTCTTACTGGATTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAATTTATCAAACCCCCAACCCGGGGGGGGGCC  
CGGCCCCCAATTCCCCCTAAAGGGAGTCTAATTACCCCCCCCCCGGGCCCCCTTTTTACAACCCGGGGCGGG  
AAAAA

>trans\_c\_4825 BT004523|Arabidopsis thaliana At4g18560/F28J12\_220 gene, complete cds

TTGAGAGCTCACCGAAGACATCGACGCCGGCGCAGCCTTCTCCGAGCTCCGGTAAGGTTTCCAGAAAACGG  
TTTTCTCCCGCTCATTTGGTGTATATTTCCCTCGTTCTTCTGCTCAGGTTTACGCTCGACCGCTGACGTCACGG  
AGCTCCTTCGTATGGTTGAGGAGTTGCGTGACAGAGAGGCGCGACTGAAGACTGACCTATTGGAGCATAAGT  
TGTTGAAGGAATCTGTCGCCATTGTGCCTGTGCTTGAGAATGAGATATCTACGAAAGATGCGGAGATTGAAA  
GAGCGTCTAAGCGGATACTGTTCTTGGAGGCGGAGAATGAGCGTTGAGAGTTGAGTGGAGGAAGTTAAA  
CAGAGTGTTGAGGAGGAGAGGAGAGAAAAGTCAAGAGAGAATAAAGGCAATGGAAGGTGAAATCTCTGAGC  
TGAAGAAAATGGCGTTGGATCGAAGCAGAATGGAGCTTATTTTGGAGAACGATGAGCTTTCGGCGTCACAGA  
GGTTTCAGGGATTAATGGAGGTTTCGGGAAAGTCTAACCTAATCAGGAACTTGAAAAGAGCGACCAAATGTT  
CGGATGCTGTTGTTAACCAAGACAACCATAAGGTTGAACATCCAGAGGTAAAGAAAGAAGAAGATGGAAGA  
GAAAGTTTTGGCAATGGAGTCTCAAGCAGAAGCTCTTGACAGTTAACAACTGATGATCTTGAAGGAAAGTTT  
GCTCTGTTGGAAGGCTCATC

>trans\_c\_4826 FJ899660|Jatropha curcas membrane protein mRNA, complete cds

ATATCAATGCGAGCCATTAAGGCGAACTATTTAATCCCCAAATTTGCAAATCGAAGAATCAAAGTCAACATTCA  
ATCTCTTTCGATCAGAGTGGTGACCGGAGAGAAGACTAGCCGGCCGGCCAGGAGGAGGATCGATTTCGCTGCA  
ATTCTTCTTCATCTCTCCGGCTACCCAATTTCTTACGAAATCATGACAACATCAAGGCGTCTTGCGGACCGAAA  
GGTGGGGAAGTTTGAGAGGAATATCACAAGAGGGGGTCTGTTCCAGAGACCTCCGTTAAGAAGGGGAAGG  
AGTATCCTGTTGGGCCCTGCTGCTTGGATTCTTCATATTTGTTGTCATCGGATCATCTCTTCCAGATAATCA  
GGACAGCAACAGGCGGAGGCATGGCTTGATTTGATTTGATACGATATATAATCCTCTGATTTTGAGATATGAT  
GGTGTTATTATTACACATTACGTTGTGTCTTCTCTTTCTAAGGCAGAAAGATGAACACAAAGGAAATGTTTTT  
ATTATTTTTTTTTATTTTTCGCTTTTAAATGGAATTGATTCCGCGAGTTGTTCTTCTTCTTGTTGGGAGATTTCAG  
ATTTTGGACAATAGTATTGTTACCCTTCTCTCTTCTGCTTTCACATATCTTGTAAACATCGACTTTGTTGTCAGC  
CTTAGAAGAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAGGTACATTTCAACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_4827 NM\_127707|Arabidopsis thaliana RNA binding (AT2G21350) mRNA, complete cds

AAGCAAAAATGAGGGCTTCGATAATCTCCTCTCACTCTCACTCTCACGCTCACTCTCTCCTTCTCCGCTCAGTCC  
CCTCCTCCTTCTCCACCTTCTTCTCTAAACCCTCCGCCACCGCCGCTTCTCCACAGTTTGTTCCATCAATTTAA  
GCCCAGCAGTTCAACCTTCTCACTCGCAAGTCTCCTCACTATTCCCGCCCTTCACTCCCTCCACATCCCTTTCC  
TTCTCTCGCTTTTCTCCTCCACCGTTTCCGGTCCCTCCGAGGTCAGATTTGATGAAGGTGACGATGAAATTGA  
AGACAAAGACGAAAGTGATTACGAAGATGAAGTTGAAATGGAAGATTCCGTTGGGGATGGAACGGAAAAACG  
GTGTGGCTTCGGAGCTGTCTTCGCCGGTTATGAATAGAAATGAAGTGAAGAATATTCCGAGCTTGACGATTAA  
GGAGAAGAAGGAGCTGGCATCGTATGCTCATGTTTTGGGAAGAAGCTGAAAAGTCAGTTGGTGGGAAAGT  
CTGGCGTCACTCCTGGTTTGGCTACTTCTTTCATCGAGACACTTGAAGCCAACGAGCTTCTTAAGATCAAAATT  
CTCGGAAACTGTCCAGAGGATCTTGAGGATGTGGTTAGGAAATTGGAGGAATCAACTGGCTCTGTGGTGGTG  
AATCAGATTGGCAGAACTGTTATTATTTATAGGCCAGCATCACCAAATGAAAGCTGAGGAAGAAAAACGA  
CGTTCC

>trans\_c\_4828 AC215397|*Solanum lycopersicum* Tomato chromosome 2, C02HBa0155C10, complete sequence

ATCAAAATGAAGTACAAGTTCGGTCAGTGTTAAAGCGGCTGTAAACAAAGCAAATCCTGAAGAATTGAGCG  
TGCTGCAGACCATATTCTGCACAGATTTCGCAAACCACTGAATTGAGAGCAGAATTTGCATCACTGATCAAAGA  
GAAACAAGATAAGTGTAGATAGATAGTTAAGTAAAAAGATATAGTAGCCATCATTCTTTCTAATTGAAGCTTT  
ATTAGCTCGTTCTCGGTCTTTTATCGAGTCTATTCTCTCTCTAACGATTCATAATTGGAATGGGAGATCCTAT  
TCCTAGTTTGGACTTTGTGCACAAGTTAAATTATCTGCTGGCTTTTCAGCTAGCTGTCTGAGAGTTGCTATTTGA  
CTGGCTCAGTGCCATCCCGACATTGATCGCGATTGATATGATTGGTGCTGCTCTCGTCGTAGGAAATGCTGCT  
AGTTTTGCTGACTATATGTGTAATTGTCAGTCTTACTCTACCAATTCCATTTACTACTAGGATATTGGTTTACC  
AGAGTCCAGAGCTTGTCTTATTCTCTCTTTGATCTTTGATTCAAACCTAGCTGATTCTGTAACCTAAGTGCTAGTG  
GTATCAGATTGGTATTGATGAGTCTGGTTGCCATTTTTGACCAATATTCTTTTATTGAGCAACAAACAGTGCTA  
GATGTCAATGTATAGTTTGACCATCCTTATTATTAATTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_4829 DQ351289|*Petunia inflata* cytochrome P450 CYP74C9 (psr2) gene, complete cds

AATTCTCATCTCATCACCTTCCACTTTCTCTTCCACTCAGGCATCATTCCAATGGCTACTGCCTCCGCTACCTCT  
CGACGGCCATGTCCACCGCCGCCCATCGCCGCCGGCTCAAGGCGGCAGAGGCAAACCAATGTCCATTATAT  
TACTGGGCTTAACCTCTTTGGACCCATGAAAGCTCACAACAATGTCGTCTCCTTAGGCCTTCCCGTTTGTGCTG  
ATCAATCATTTGCAAAAATTGTGAGCTCTTTGAAATACCCATCAAAGGGAAAGGGGAAAAACGGCGGTGGAG  
CTCTTTCTTCCACTTGTAATGCCGCCGGTGAGATTTTCAGGATTGCTGCCATTATCAATGGGCTGGTTCTTATTG  
GAGTGGCTGTGGGGTTTGTCTTCTTCGGATCGAAGCATCTGTGGAGGAGGCAGAGTGAAAAGCTACCAAAA  
ATGGTTGATGATGATGAGGATATTGGTCAGTTATCTGAAATTTGTAAGTTAATCTGTTACTTTTACCAGTTATT  
GTAGAACTCAATTGTTTCCATCAGTCAAAAACAAATTGACAAAATTCATTTTGCCTATTTCTATCCCTGCTTCTCAT  
TACAAAATAATGGCATTGTAGTATATTGTTTCATCTGCTTGAAAAAAATGCATATTCTTGTAATTTCTTTTGTG  
CTGTTTGGATCATGAGAAGAATAAGAAATGAACTTTGCAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4830 Novel Gene

CGTCGTGGTTGAAGTCGTAACCGATTCAACTAATCAAGATGAAGGAAGTCCAAATCGAAATTCAAATTCGCGG  
AATTTGGATCAAGGAAATGAAAGAACAGTGAGAAGAGGAGAAGAATCTGTGGGTTTCGATTAGGTCAGTTTCA  
GAGGATTATCAGTTGTCTCCATATGGAAATCGAAATCTCTCTGTTGCAGATATATTGAGCATCAACCACGAAG  
AAGACGAGGAGGTTGAAGCTCCTGTGGATTACCAATGGCGGCGGCAGGTAGTGGTCCGTCAACTGGCGGG  
GGGAAAGAAACGGAAAAATGCAGAAACAGAAACGGCGTTTTGAATTCCGCCGTGAGAATGTTCGATTTTCATCT  
GGAATTTTTTCTTTCGCAAGGTATGCAAAAGGGAAGAGTTCCAATTACCAATTTGACATTAACAAAGAAA  
TCAAAGAATCAAAGAATCAAAGAATCAAAAAACAAAAATGATTTGGCAAAAGATCTAAGAAGAAATTTCTT  
CTTCTTCTTCTTCTTTTTTTCTCTCTCTCTCAAAGTCAAGATTGTCGGTTTGGAGGGTTCTGATTTGGGCC  
ATCTGGCAATTTTCGAAACTTATAGAGTTAAATATTAATGATAATAGAGTACTAAAGTTAAAGGCTATTGTAAC  
TAAAGAATTTAATTCTATAGATTTGAATTGTACCAATTGGATTGGTCTTTCATCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_4831 X59970|*B.napus* mRNA for 3-isopropylmalate dehydrogenase

AATAAGCCCAATAACCATTTCTATTCCCCATTTCCACACTTGGAGACTTTCAGCTGACTTCATCCATGGCGGCTGC  
TTTGATCTCAACGCTAAGCCTTTCAATCTTTGTTCCCATCTATTAGGCTTCCAAAGTCATCGCCGTCTCCTTC  
CGAGTCAAGTGCTCTGCCGGGACATCCCTTCCAGGCGCTATAATATCGCCCTGCTTCCCGGCGATGGCATTG



GCCCCGAAGTTATCGCCGTCGCCAAGGATGTTCTCAACTTTGCTGCTTCTTGAAGGGATTGGATTTCGATTAC  
AAAGAAATGCCTGTGGGTGGAGCTGCGCTTGATTTAACCGGGGTTCCATTGCCAGATGAGACGCTTTTAGCA  
GCAAAGGAGTCTGATGCCATTCTATTTGGGGCAATTGGAGGTTACAAATGGGATGATAATCCAAAACATTTGA  
AGCCAGAGACTGGGTTGCTTCAACTTCGGAAAGGTCTTGGAGTGTGGCTAATTTGCGGCCTGCAACCGTTTT  
TCCCCAGTTGGTGGATGCTTCGACTTTGAAGAGAGAGGTTGCTGAAGGTGTTGATCTCATGGTCGTAAGGGA  
ACTCACCGGAGGTATTTATTTTGGGCAACCAAGAGGTTTTAAAACCAAGTGAAAATGGGGAAGAAATTGGATT  
AATACTGAAGTGTATGCAGCACAGGAGATTGATCGTGTGCTCGAGTGGCATTTAACAATGCTCGGAAGCGTC  
AAGGA

>trans\_c\_4832 BT011787|*Arabidopsis thaliana* At5g62280 mRNA, complete cds

AAAACAGAATATTTCCACAACCATTACTGTTATTACTTCTTACAAAATACTTCAACTTCAGGAAGAGGTACAGA  
AACACAAAATAAGGTTGAGATAGTGAGAAACAAAGTACTCAATGGCTAGCTGGTCTGCTGAGAACGCCACTG  
AAGCCTTCTCAACACCCTCAAAATGGGCCAAAAGGCAAACGAACCCGACGTAGGGGAGTTCATTTACGCCAT  
GGCGGCTGGAAACAACGCCCAACTAATGGTGGTGGCATAAGAAAGATCTGCCGATCACAAGATCCTCGCACT  
CGCTGCCGCTGCTGGGCAAACGGGCGGACGAGTGGTGTGCATAATTCAACGACAAGAAGATCTTCATGTATC  
ACAAGCAATTCTTGAATGGTATCACATGACCACGGAATAGAGTTCGTAGTGGGAGAAGCGGAGAAGCTAAT  
AAAAACACAGTATACAGAAGTAGATTTTGTCTAATAGACTGTAATCTGGATAGCCACGCGGCGGTGTTGGAG  
GCCGTTAGATCGAGAAGGAAAAACGACCAAGGCGCCACCCTGGTGGTGGGTTTCAATGCCATGAGCAAAAG  
ATGTGAAGGAGGAGCCACCGGTGGTCGGAGGGATTGACGACCCATCTTTTCCGATCGGGAAGGGGGGTG  
ATGGTGACGAGAGTTGGGGCAGAGGTGTCGAAAGCCGGGGACGATGGGAGGAGGATGAGGAGGAGGAGG  
CAAAACCAAGTGGGTGTGAA

>trans\_c\_4833 NM\_001036428|*Arabidopsis thaliana* aldo/keto reductase family protein  
(AT2G37770) mRNA, complete cds

GGGGGTACCATTTCAATTTGCATTTGGCTTCCTCCATTCAATTTCTTTTCTATACCTCCGAAATGGATTCTCCGA  
TCTCCTTTTCCAGTTGAATACTGGTGCTAACATCCCCTCCATCGGACTCGGAACTTGGCAGGCAACTGAAGGT  
CTCGTCGGTAACGCCGTTGCCGCCCATCAAGATCGGATATCGACATATTGATTGTGCTCGAGACTATGGCA  
ACGAGAAAGAGATTGGTTCAGTTCTCAAACAGCTTTTTGAAGAAGGTGTAGTTAAGCGTGAGGATTTGTTTAT  
CACTTCCAAACTCTGGTGTACTGATCATGCTCCAGAAGATGTTCCAGCAGCACTTGACAGAACCTTGGAAGATT  
TGCAGCTTGATTATCTTGATCTATACCTTATCCATTGGCCAATACGGTTGAAACATGGATCTACTGGCTTGGCC  
CCTGAAAACCTTTCTTGCCCCAGACATACCGAGCACATGGAAAGCCATGGAAGAACTCTTTGATTCTGGAAAAG  
CCCGAGCTATTGGTGTAAAGCAATTTATCCACCAAGAAGCTCGAAGATTTGCTGGAGGTAGCTCGCGTTCCTCC  
AGCTGTCAATCAGGTGGAGTGTACCCAGGATGGCAGCAGGACAAACTACGTGAATTTTGCAAATCAAAAGG  
AATTCATCTAAGCGGATACTCCCCATTGGGTTCACGTGGGACAACCTGGCTCAAGGGTGGTGATATTCTTGAA  
AACC

>trans\_c\_4834 AY389729|*Hyacinthus orientalis* At1g67350-like protein mRNA, complete cds

TCATTCTTCGAGTGCATTTTCTCCCGCGGGTGAACCTTCAGTTTACTGAGGAAGAAATCTCAATTTGTGCAATCG  
ACTTTCAAGGAACATATTAGAAATGAAGTTCATTATGGAGTTTGCTGAGGATTTGGTATTGAGACTTATGGAG  
GATCCAAAAGAGAGGGATCGCAGATTCAGAGAGCACGTATATGCGGTCAAGGATCGGTGCCAAAAGACGAA  
GGAGATGTGGAGCTTACCTCTTCGTCCTTATGGATTTTGACGTTTGACCGCCACAATTCTCAGCTGAAGTGG  
GACCCACAAATTAGTCAAGTTCCTGGTAGGAGGGATCCTTATGATGATTTGCTTCAGGACTTCAACAATAACT  
CAAGTGATATATGAAGAATATTTGCAAGAGCTCCATATTTGGTGGTGGAACTGGGAAGCTCTCAAGCAATTT  
GTTTGAACCTTTGTTTATTGCTGTTTAATTTCTCGTGCTGTTAAGGAAGCACTTTGTGGGTTTGTATTGTCAAAC

AGAGATTTTGGTGATGGAATAAACGTGTCTTTTAGCTCATAAGACTTGTATTTCAAGTTGGTGAATTTGGGGA  
ACCGATCCCATCATTTTCGTATTAGTGTTTTATGTATACATCACTTGGAAATTTCTTCTTATAGTTTATATTGATATC  
AACTGTGATTCATGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_4835 NM\_001062675|Oryza sativa Japonica Group Os05g0533400 (Os05g0533400)  
mRNA, complete cds

CTTCTCTCATCTTCAACCTCTTCAGCTCAAACCTTCTCTTCTCTCTTCCATCTTCCTCTTTCTGCTCTTCCCATTCT  
TCTTCACGACCATGGCTTCATCCTCAGCCTTCGTCTTCGTTGTTCTCTTAGCTTTAATCGCCGCCTCTCTTGGCCA  
AGCTCCGGGTGCCGCACCGCCTCTTCTCCAACCAATCGCCGCCAGTCTCCTCTCCTAAATCTGCTCCTCCACC  
AACAGTGGCCACTCCTCCATCTTCATCCCTCGCTCCGTCCGGCTTTGCTCCCTCTCCTTCCACCATAACTTCACCA  
CCAGCTATGGCTCCGGCTTCTTCTCCACCAGCTCCACCTACTGCTCCTTCCGACTCACCAGTCATGACTCCGGTT  
CCATCTTCTTCCATCTCAAATCCTCCTGCACTGGCTCCGTCCGCCAACCTCCACCCCTGGCAATGGCGCTTCCGTG  
AACAGAATCGCCGTCTCTGGATCTATCATAGCCGCTGTAATTTCTCCGCTCTACTATTTTAAAATGCAATCAGT  
CTATCTTCACTCTTCGCTTTCCTCAGGAGACGCAGATCTTAGGGTTTCATTGTCGGCATTAGTCGTTGTTGTAGT  
TTTCTTAGTATATTTTTTATTTTACTCTTATTTTTGGTGTACTTAGGAACCGAGAGGATTAGACGGTGGCCGCTT  
GATGATTATTGTTATTTATTTGAATTTCTTTGTTTTATTACCGTTCTTTAGTCGATTT

>trans\_c\_4836 BT026064|Arabidopsis thaliana At2g18860 mRNA, complete cds

TGTGTTGAGGCATCATTACGTGAATATTTTATTGAGGAAGGGAAGCAACCTCTTAAATGGGTAAACCTTAATG  
AGGAAGAACGTGATGATTTAGCTGCATTTCTCACTGGGACAACACCTACTATACGAGGTCCAAAAGATGAACA  
CCTGGAACCTGTACCTTCTTATGAAGAATCTATTCATGAGACCTGTAATAGAAGACGAGAAGCAAGCAGTAAC  
CAGAGCAGCTTAGATATTAGCGATAAGGTTGAAGAAATTCAAGATGCACAGTTTGTGATGAAACTTCAAGATA  
ATGAAATTTACGTTCAAGGGATGATGTTGTATGCCATACAGAGAGGACAACCAATGGTAGAAGAGTGTGGA  
GTTACCTAACTTTGATACTTTGACAATTGTTATTCCTGATGAAGATGAACGGAGAAACCAATGCCAACGGTG  
GAGCCCACACCTAAAGAAAAAGGATCCAGAACAACCTCTGGAGGCAAACCTGGACGGGAGTTTCTTCCAGCA  
AAAATTGCTGGTCATGTATGCAGTCAGCTCTTTGCTAGGTTTCTGGTTTCGAGACAATTCCAGAGTTCAAGGAA  
TCTGCAGCGTGGTTGCTCAGTTCAACTTACACTTGCTCTGATGTTAACAATTTCTTATTGGTGCCCTTTGTACTT  
TATTCAACTTGACAGTTCTGTATGAGACATCTACAATATAGCAGTGGTTACAACAACAGATTTAGATCACAAGC  
TCTG

>trans\_c\_4837 AY039587|Arabidopsis thaliana AT4g29480/F17A13\_300 mRNA, complete cds

AGCTTTTCTTCTCTCTCTTCCGCACAGTCTCGGAGCTCCTCTTTCTTCTCCTACTAGCGGCCAGAGAAAAGCAG  
CCACTTCCATTCTCAATCTTCTCCCTCACCGTCACTTTCCCTATTCTCAAAGTTTTTCTTAGCTTTGTGTTGAAT  
TGATGGCGTCCAAGTTGCATCAGTTGCAATCCAAGGCTTGTCAAGCTACTCAATTTGCTTGCAAACACGGGAC  
TTCCTATTATAAGCAGTTATTGGAGCAGAACAAGCAATATATCCAAGAGCCAGCTACTGTGGAAAAATGCAGC  
TTGCTTTCAAAGCAGTTGCTTTATACTCGGCTTGCTAGCATCCCAGGTCGTTATGAATCATTCTGGAAAGAACT  
TGATTACGTGAAAACTTGTGGAAGAACAGACAGGAGCTGAAAGTTGAAGATGCCGGCATTGCCGCTTGTT  
CGGGCTGGAGTGCTTTGCATGGTTTTGTGCCGGTGAGATCGTAGGAAGAGGGTTTACATTACAGGTTATTAT  
GTCTGAGATCGTCCTCAGTGATTTATGGAAGGGACAATGACAATGACAATGACGAGACTTCCCTTTTCTTTTCT  
GGCGGGTACTCCGCATACAATTTTTTTTCTATTAATTGAGGATTCTGTGAGCAACACTTAATAGATTTAATAAT  
AATCAACGAATTCCGAGGGACCATGAGGGATCCTAGTGGTGTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4838 XM\_002871795|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH-ubiquinone oxidoreductase 19 kDa subunit family protein, mRNA

AGGGAAAAAGAGAAAAAAAAAAGGGGGAAAACTCTTCAGTTCATCGGCAGCGTGTAAGTTAGTATTTCTTAC  
CCTAATACTCTACTATCAGGTCTGCATTTCTCTCAGATTCTCACTCTTAGTTTACGGGATTTCGACCTAGTGGATT  
GAAAGAGATGGCGAGCGCTGTAGATGCTGCAGGAGATCCTATTCTACATCGGCGGTGCTAATGTCCTCCTCA  
AAGCACATTGCGATTAAGTGTGATCGGAGAATGTGGCGTACCTCCAGTGCAAACAGAAGGATCCCAACCCG  
GAGAAATGCCTGGACAAAGGCCATCAAGTCACTCGATGCGTCCTCTCCCTGCTTAAAGATCTTCATCAAAGGT  
GCACGAAAGAGATGGATGCGTATGTTGGGTGTATGTACTACCATACTAATGAGTTTCGATTTATGTGCGAAAGA  
GCAGGAAGCATTTGAGAAAGGTTGTCCCTTGAATGATCTTCATACATGTGAAGTGTTCCTCAATAAAAAATTTCT  
TGTTTGCAAATGAGCAAGTACTGTTGTTATTCCCTTCCCTCTTTGAGTTAACCTTATGTTCTTCAAACAATCCA  
CTACTTTGTGTATGTCTCGGATTGCGAACCCGATACATTGTTGCAAACAAAAGATAAACAAATCTTTTTGCCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4839 BT029737|Arabidopsis thaliana At5g17640 mRNA, complete cds

ATTACCCCGTACCCATCTCTTTCTTTATTTCGAATTAATTCAACTGTTTGGTTTTTGGAGAAATTAACAAAACCA  
CCCTTTCTCTTCTTCTTCCCTAAATTTCTCCGTCTATTTCTGTGACAAATAATGCAGATTTTCAGAGAGGGGAAAA  
GGGTTTATTATAAATTTCTTCCCGATTTTCAGTGAGAAAGAGAGGGGAAATAGGGAGTTTCCTTTTCTGGGTTT  
GGTTTATTTGCGGGTTTGTGAGGCAATCTCGTGATCTGTGAAGTCTTCTTCTACGTGACATTCAAGACTTTTGC  
TGCTATGGGGATTGGGGTTTGTCTTTTTTAATAGCTTCTTGTAGATCTCTAAGAACATTCATCCTTTCACATTT  
AGAGAGAAATTTAGAGGGAAAGTGAGGGGGAAGTGGGATTATTTGAGTTTGGGGGAAATGTTGCTGTTTTTC  
TTCTTCAGGAATTTGCGCTGCTTCGCCTTTTGTGGAGCATTGCAGTACTGTTTCTACCTGGCAACTAATCACAA  
GGACACTTGAGCTTGTGCGAAATATTAATGATCTATCAAATGGACAAAAAATTGTGACCGGAATGGATCCTCAG  
GCGTTTATTAGGTTGTCAATTGGATCATTGGGATTGAGAATCCAGGAACTTCTCTAACTCTACAAACCTGG  
AGTCAATGCTTTCTTCTCCGTGTTCTGTGAACGGATGAGGATTTTGGGAAAGCGTACTCACCTCATC

>trans\_c\_4840 XM\_002889786|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata clathrin adaptor complexes medium subunit family protein, mRNA

CAAGGAGCGAAGCACTGCAACAAATGTTGAGATCGAGTTGCCTGTGCCAGCAGATGCCACCAACCCGAATGT  
TCGGACCTCAATGGGGTCTGCTTCTTATGCACCAGAACATGATGCATTGTGCTGGAAAATAAGATCGTTTCCA  
GGTGGCAAGGAGTATATGTTAAGGGCAGAGTTTCGCCTTCTTCAATTACATCTGAAGAGGCAACTCCAGAGA  
GAAAAGCGCCAATTCGTGTAAAGTTCGAGATACCATACTTCACTGTTTCTGGAACCCAGGTTTCGTTACCTGAA  
GATTATTGAGAAAAGTGGGTACCAGGCTCTTCCATGGGTGAGATACATCACAATGGCCGGAGAGTATGAACT  
AAGGCTCATATGAAAAATCACTTACTTTGATTTATAGACATTTTCGTTTTGCAGAGTTCATATGTCGTGAATTAT  
TCAGTTAATAATCACAGGATGAGTTAAAAATTTGTTGTAGAGGATTTGGTGGGGAAAAAGAGAAAAAAAAAA  
ATCTGTTTTTCTACTCTTCTTTTGTGTAAGCATATTGCAGCTTTTGTAAAGTTCATAGTAACTGAGAAGGGTT  
TCTTTTCTTTATTTTCTTTTACTACACTAGGTGGTCTGGTTGAATTCTGTTTTGATTATATTACTTTCAACT  
AGCTCCATTTCTATCTGTTTAATTTGTTATAACCATTGTCATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_4841 AY079025|Arabidopsis thaliana At3g1920/F28J7.25 mRNA, complete cds

GCGTTCCAGGTGGGAAGTTCTATCTATGAAATGTGCTTCCTCTCCGATTGCAGCTTCTCCCTTTTTTTTTTATGC  
TTCTCAGTTCCTAATTCGGCGATGCACTGACGGTGATTCCCAATCCCCGAAATGATCATCAATGTCAGATCC

AACCTACATCCTTCTACTGCTTCTTCTCTCTCTTCCCTTCGATCTTTCGCGCCAATACGCTTCCCTTCGCCTCCATC  
TGCCAGTCGTTTCGACGGTTTTCGAACTTCACGTCGCCTCCAGGTCCTCGCCATGGTTGTCAAGCGGAGCCCTA  
AGCGCCTCAAGTACTCGGCTCCACGCTTCACCAAGGAAGGGAGCTTGATATATGTCAAAGCTGAATCAGGAG  
AGGATGGCTGGAAATTAGATCCTATTGTTAATCTTCTAAAAGAGGGTGCAGTTGGGGTTATTCTACTGATAC  
TGTGTATGGAATTGTTTGTGATCTGAAGAACCCCTCAGCCATTGAACGAATGAGAAGGATCAAGAATATAGA  
GCCTTCAAAGCCTCTGAGCATTTTGTGCCACTCCTTCCGGGACATTGATAAATATACTACAGGGTTTCTCTGTG  
GTGATGGCCAAGGTCATTCAAATATATTTGCGATGGTTAAGCATTGTCTACCTGGACCAGTGAGTGGTTCTGCT  
AACCCGGCCTTATGACGATTAGCTCCATATTATCCCTCCTTTGGATTACATGGTGTCCCAAATGACTCTAGT

>trans\_c\_4842 Novel Gene

TGATAGAACTGACGGGGGAGGATACGAAAAGAGTTCTCGCTCCTCATATCCTCGAGAAGAAGACGAGGAAG  
GCATGATCCCGCAAGATGAACAAGGTAAGGGAGCATCAGACTGATAAATAAATATCATCATTTCTAAGGCCAA  
TTCTTCTTAAAAAGGGACAAGGGTCAGTCGGTAGTGAATGGCGGTTAGTTAGTTATATAGCCTTTTTTGGTGC  
CATATGCTCTCTGATTATATTTTGGAACTATTAAGAAGACCCAATTATTTTATGCTATCTGAAGTTCCAAA  
CCTCCCAACTCTTTTTGGTTCAAAGGAAGGGTGTGCTGCTTATAGGAGTTTTGTGTGTGCCTGAATCCTCTT  
ATAGATATTTTTATGAAACAGGCTTTTTAATTTTTAATTTTTTTGGGGGGAGGAGAGAGGTGTTTACAAAAA  
AGGGGGTTTTAAATTTGAAGAAGAAGGTTGTAGTAGAAAAGACTTAAATTGTAAATGTGGTGATGATGTCTG  
TCTCAATGAGATGTACATGTTTGCTAAAGGGAGTAAGCTCTCTTCTTAAACATTTTGGTCTTTCTGTTGTTGG  
ACTTTGAGAAAGCACTTCGTTTCAATCATTTTTAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCGCCCGCCCCGAAAAAACTTATCAAAGCCCCCA  
CCCCC

>trans\_c\_4843 XM\_002871116|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein synthesis initiation factor  
eIF2 alpha, mRNA

ATTCCCCTCGAGTTCCACCAGCTTTGCGACAGCGTTTCTTCACTCGCCGATTCTCCCTTTTCACTTGTGTGCGATC  
TTCTCATCTCCCTCAACTCGCGTTCTCTCACCGTCGATCTCCCTCACGGCAGTTCTCTCATTGCAGTTCATCGAT  
TTCCGGTGGTAGTGAGTACAAACACCAAGAGCCTTTCGACCATGGCTTCCATTCCCTAACCTCGAGTGTGCG  
GATGTACGAGGCAAAGTACCCAGAGGTGGATATGGCTGTCATGATTCAAGTCAAGAACATCGCCGATATGGG  
CGCTACGTCTCCCTTCTGAATACAACAATATCGAGGGTATGATTCTTTTCTCCGAGCTGATATTGAGATGAA  
GTGTTTCCAATTTGATGGTGTTCTTACATAAAGGAAGCAATGCGTAAAGCTGAAGCTGCTGGAAATGATGAT  
TGTCTGTAAAATTAATTGGTTGCTCCTCACTCTACGTCCTTACTACTCAGACACTTGACAAGGAGCAAGG  
AATCACTGTTCTTGAAGCAATTGCTGCTTCACTGAGGCAATTGAGCATCACAGGGAAAGCTTGTGGTG  
AAGGAGACACCCAGAGCGGTAAGTGAAAGAGATGACAAATTGCTTGTGAGCACATGGCGAAGCTACGACA  
AGACAATGAAGAAATCAGTGGAGATGAGGATAGTGAGGAGGAGGAAGACACAGGGNTGGGGGGAAGTCG  
ATGTTG

>trans\_c\_4844 AF439853|Phaseolus vulgaris pathogen-induced calmodulin-binding protein (PICBP)  
mRNA, partial cds

AAAAATATTGAGAAGATCTTTGGTCTTACAAGATGCAGCTTAAAAATGTGCAAATGAATGCAATGCAGAATT  
GATGCTAAGGTTATTCATTACTAATTGTTGGATTCACTGTCTCGAAAGCTTGACGAGTAACTCGACTTTTCG  
CTTACGAGCAGGAGTGAGTTTGGCCACGGCTGCTGAAGTGCGTAATCAAGCATCCATTCTCTGCATTCTTTC  
TATCTTCTGTGTCTTGACGCCTCAGTTGAACTTTTTCTGATTCTGCATCTTGCATCAAAGGCAAAAAATTTGGTT  
TTCTTGGGTTGAATTTCTTACTTTCTCCATTGCTTGGACAAATCTTCAAAGAATTACTTTTTCAAATTGCTC  
CAATTCTTAGAACTTGCCGATTGTCTTTGCTTCAAACCTTTGGCTCTTTCCATCATCCTGGCTGTTTAAATCAA

CAGAATTCGTTGATCCTTCATCAACATTAGAATCAGTAGTATCGTATGCTTCCCCTTTTCTGTCTTTTATCTCAGA  
GGCATCTTGTTTCTCTTCTAGGAATAATCCTTGGTCTCTAATCAAGTTGCTGGACAACGATCCATCATGGGGCG  
AGGTATTGTTTTCTGGAAGAGGAATCTCATCAATTGCTTCGTTTACGAGCTTTATGGCTTCAATGCATTGGAGT  
TCCACATCTGGGTCATTACAAAAGTTGTTTTCCAATTCCATATTTTGTCTTGAGGAAAATT

>trans\_c\_4845 AJ224640|Arabidopsis thaliana mRNA for FKBP-like protein

AACAGGTGCAATTACACTCTACTTCGTGGCCTTCGCTCTCGCTATTAATTAGACAAAAAAAAAACGAACTTG  
TTCTTTACAAAATCGACTTGTGAGACCCTCTTTCTCTAGAATCTTCTTCGATCTTTGAAAATACAATCGAGATTC  
ATCGACCCACTAACCAAAAAGGGCGATTTTGACTCGCAACAATTTGGAGTCACTTCGTGGTTATCAGGTGAAG  
AAATGGACGAACAGCAGGAGCATCAGACCCATAATCCTGGTCAAGATGATGAAATGAAATAGTAGCTGAAGG  
TGCTTCAGTTGTGCATGGGGAACCTCCAAGCGATGACAAATGGCCCTCCCAAAGTTGATTCTGAAGTAGAAGTT  
CTTCAGGAGAAAAGTCACAAAACAGATTATGGAGGAAGGTCGTGGTCAGATACCATCTAAATATTCAACGTGCT  
TTTTGCATTATCGGGCATGGACTGAAAGCACTCGGCACAAATTTGAGGACACATGGAATGAACTACGACCCCT  
TGAACTTGATTAGGGAAAGAAAAAAGAAATGACTGGCTTGAGTATTGGTGTGCCAGTATGAAATCTGG  
TGAGCGCGCCCTGTTGCACGCGGGATGGGAACTAGCTTATGGAAAGGAAGGAAATTTTCTTCCCTAATGTT  
CCGCCGATGTCAGATGTATTGTATGAAGTCGAGCTCATTGGGTTTGATGAGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4846 DQ473580|Ricinus communis plastid Tic40 mRNA, complete cds; nuclear gene for  
plastid product

CTTCCACGCCTCTCCAAATTTGCTGAGTCTTCCAGCGCCATTCGAAAACCTGCTGTCGTCGTCTTCTACATCCGT  
CGAAGCTTCGACGTCCGACTGAGTCTTCGACGTCTGACCAAGTCATCAACGTCACAGTCCACCCACTCTTCGAC  
GGACACAGTCCCACCATCCCCAACAGTCCCTTCGACGACGCCGTAACAATATGAGTGGAAGCCCACAATGGAA  
CGGTCACCTCAAGAATCTTTGAAGAACTTTGATCTTAGTAGCCCTGAAGTTAAGCAGCAATTTGATCAAATTG  
GGCTTACACCTGAAGAAGTTATTTCCAAAATTATGGCCAATCCCGAAATTGCAATGGCATTTCAAAATCCAAGA  
GTTCAAGCAGCCATCATGGATATATTTGCAGATGGCAGATTGGCATTTAATGGATTAAGCAAACTGTAAAAA  
AAGGTTGGACGGAGTTCAAAGGAAAGTTTGGTTTTGGAGCCTCTTTGTGATGAGCAAGGAATATGAAGCTTC  
CAATAAATGCCAAGTTAAAATTTAGCATATCCTTGCAAAACCTTTCACAACCAATGTCGCTGGCAGTAATGTAT  
TTTGTATTGTAAACAATTTGGACTTTGTATATGTATTTAGCATTGTAAAAATTTGATGATAGATAAAACACTCAT  
TTTTGCGTTTTATCTTGTTTCTTTTACTTCTTTGATCAAATGTAGGTTAGTACCCTCAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4847 HM752243|Chrysanthemum x morifolium xyloglucan endotransglycosylase mRNA,  
complete cds

TCGACCGACGACTTTTCTTGAGGATTTTAGGGTGACGTGGGCGGATAGCCATGTGAAGGAACTCGATGGTGG  
GAGGGGAATTCAACTTCTTCTCGATCGAAGCTCTGGATGTGGATTGCTTCTAAGAGGCAGTATTTGTTTGGA  
AAAGTGAGCATGAAGATAAACTAGTTCCTGGTGACTCGGCGGGAACGGTTACTGCATTTTATGAACTCAG  
ACACAGACACAATACGCGATGAATTAGACTTTGAGTTTTTGGGAAATAGGAGTGGACAACCATATACGGTTCA  
AACTAATATATATGCTCATGGAAAGGGTGATAGAGAGCAAAGGGTGAAGTTGTGGTTCGACCCTGCAGCTGA  
TTTCACACTTATTCAATTAGGTGGACCCATTCGCTAATTGTATTTGGTGTGGATGATATCCCAATAAGGGTAT  
ATAAGAACCACGAAGCCAAAGGGATCCCATATCCAAAACAACAACCAATGGGAATATATTCAACACTATGGG  
AAGCCGATGACTGGGCCACCAGAGGTGGTTTGGAGAAGATTGATTGGAACAAAGCTCCATTCTATGCTTATTA  
CAAGGACTTTGACATTGAGGGTTGCCCTGTCCAGGCCCGCAAAGTGCCTTCAAACCCCAACAATTGGTGG  
GAAGCCCCGTCTACCAGTCCCTCTCTCTTTGGAAGCCAGAACTATAGATGGGTTCGTATGAACCACATGAT  
ATATGAC

>trans\_c\_4848 NM\_001084592|Arabidopsis thaliana SEC61 BETA; protein transporter (SEC61 BETA) mRNA, complete cds

AAGAAACGAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGTTAGAATTAGCATTCCCTTCTGAATTCCAATTCCATCTCC  
CCATTCCAAACAAACAACCTCTTCTTCGATTTTGTCTCAGAATGGCTTTAGGTGGAGGTCCCCAGAGAGGAAGT  
GCGGCAGCTACTGCCAGCATGCGCAGGAGAAGAACAACAAGTTCTGGTACATCTGGAGGTGCAGCTGGAAC  
AATGCTGCAGTTTTACACGGATGATGCTCCTGGACTCAAGATATCCCCCAATGTTGTTCTCGTCATGAGCATTG  
GTTTCATTGCTTTTGTGCGTTCTCCATGTTATGGGTAAGCTGTACTTCGTGCGAAGAGAAGCCTAGAGGGTT  
TTCCCCTGATAAAAGTGTGATGCATATTTAAATTCATTGTGGCAAAAGTTTAATTTTGAAGTGAAGTCTCGTTTG  
TCATTACAGTCAAACTAATTTTCGATTTTGTACTAGTTAGAATGAAAGAGCTTTTCTGTTCTCTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCGCCCGGGCCCCCAGAACCTTATTGAACCCCTCAACCCCGGGGGG  
GGCCCGGTCCCCAATCCCCCTTAGAGGGTCGAAATAGGGGGGACCCCGGGGCTACCTTTAAACCCCGTG  
GCGGGA

>trans\_c\_4849 XM\_002889446|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAACTTTCGGTGCCCTCCTTAATTCTCCAACACCCTGCCTTCCATCTTTCTCCTCCCTCTCGAGTTGAGCTCC  
TTCTCTGCTTCTCTTTCCTTGGTCTGATAAAAGTTGGAAAGAGTTATGGCCCTATGGATGGAGGATGGTTCGA  
ATCCCTTAACAGAGAATGAGAAAGCTGACCTTGACGCCATAGCTGCTCTCAAAGAGAGTTCTGCCCTCGAGTT  
CAAGGAAAAGGGGAATGAATTTGTCAGGTTGGGTAAAAAGCACTATACTGATGCTATTGATTGCTACACTAA  
GGCAATTAATCAGAAAGTCCTAAGCAACTCTGAGAACTCTGTTCTTTATGCAAATAGAGCTCATGTGAATTTAC  
TTCTTGAAACAATAGACGAGCCCTAAATGATGCTGAGGAGGCAATCAATTTGTGTCCACAAACATCAAGGC  
AATTTATCGAGCTGCTAAAGCATCTCTTTCCCGAATTTATTAGATGAAGCAAAGTCCTACTGTGTAAGTGGTA  
TAAGGTGCGACCCAAATAATGTAGAAAACAAAAGATTGAGAGGCAGATTGATTCACTGATATTGGAGCAAG  
AACAACGTGAGGCTCTAGTTACAAAGGCTATTGCAGAGGCAGAGAACTTGTTTCTGCAATCGTGATAGAG  
GTTTTAAGAATGGGAAGGCGGCATATCAAGAACTAAGTGGATTAAGAAAGCCGGTATTAGATAAAATAACAT  
TCTC

>trans\_c\_4850 NM\_100363|Arabidopsis thaliana ubiquitin-associated (UBA)/TS-N domain-  
containing protein (AT1G04850) mRNA, complete cds

AGAAAATGAGAGAAAAAGAATATTAGCCTTGAGAAAAGCCGAAAAAGAAGAAGAGAAAAGAGCCAGGGAG  
AAAATTCGTCAAAAACCTTGAAGAGGACAAGGCAGAAAGAAGACGGAGGCTTGGATTGCCACCAGAAGATCC  
TTCAACTGCAAAACCTCCGGCACCTGTTGTTGAAGAGAAAAAGATGTCTTTACCAGTTAGACCTGCTTCAAAG  
GCAGAGCAAATGAGAGAATGTTTGCATCATTAAAGTCCAATCACAAGGAGGACGATGCTAAAGTGAAGAG  
AGCGTTTCAAACCTTCTAAGTTATGTGGGAAACGTGGTGAAAAATCCTGATGAAGAGAAATTCAGAAAAATA  
AGACTTAGCAACCAAACCTTTCCAGGATAGAGTGGGTACACTGAGAGGAGGAATTGAGTTTCTAGAGCTGTGT  
GGGTTTCGAGAAAATCGAAGGTGGCGAGTTCTTATTTCTGCCAGAAACAAGGTTGACAGGGCAGTGCTAAAT  
ACAGCTGGCTCTGAGCTCGACTCTGCTATTAATAATCCTTCTTTGGCGTCCTTAATTTTCATGTTACAGAGAAA  
AAAAAAAATATTTTAGTACTTTTTTTTTTGGGTGTGGAATATGGTCCAGATTGATGTTGATATTTGCTTTGGT  
GACACTACATTAAGAAAGATTTAGTGCATTTACTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4851 NM\_128687|Arabidopsis thaliana INH3 (INHIBITOR-3) (INH3) mRNA, complete cds

GAGATACGAGCGGACCGACTATTTCCGCGGTCTGCTTGAAATGAAAAAGAGAGGAATTCGCAGTTTCTTCCCT  
TTATCCCAATTCTCATTCCGATTACAGATTTTCTCGATCATAGATGGCCAGGGCACCCATGACCGCTCCGGAG  
CATTGACCTCCTCCTCCCTTCACTCACCACCACCACCGTCATCTTACCCAACGGTTCTTCTTCTCTCAACCCCC  
CGAAACCCTAGTGCTCCGTCTCAATCGGAAGAAGAAGAAGGTCTCCTGGAAGGAAGGCACCGTCGATAACGA  
GTTTCATGCAGAAAAAGAGCTCCAAGAAGTGCTGTATTTTCAAGCAGAAACCCCTTCGACGAGGACGGCAG  
CGATCAGGAGGAGGATGATAATCATCATCATGGAACGGAAACCCTTGCTGCTCTGGGGGAAACGGCGGGG  
ATGGTTCCAGTAGTGTCAGTTGATAGTCCGGATTGAGATGTAAAGCTGATATTTGAAAGGTTACTGGATTGCG  
TGCGTGTGTGTGTGTGTTTTCTTCTTCTTGAATCGGGTTGAGTGTGAGATTATCTGATTATACATATATTTTTT  
GTCGAATTAATTGATGACATTTGCTGCTGGACGCGATATGTTATTTAACTGATCAAAGGGGGTTTCCCTAAAAA  
TCGAATCGTTATAGGTGGATGTATATTGGCCACCGTTTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_4852 AY062654|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g21200; MXL8.5) mRNA,  
complete cds

CTGGAGCTTCGTGTGTCGATCACAATCCTCGCAACCTTCTCGTTCGCACTGCTCATTCTCATCCTACTATCTGCG  
AGCTGAATTTCTTATCCCTTTCAACGAATTCGAACAAAAGTATCTCAAATTCGTCAATTCTTAACTCTAGAGT  
GATTTTGGAGCATCATCAAATGCATCTTCAAGCTCAAACCTCTACCAATCAGCTCGTACCTCCGTTATTCCTTT  
AAAAGCAACTTCGAAATCCCCATTGCTCACCCAAACGCATGCCGTTTCCGTGGAGTTTCGTATCGGGCTCTGA  
AATGTTCTGTTGCGACGATTTCCGAGTCGGCCCCGACGGAATGCGGAATGTGAAGCCGTTTCCGGCTGAGG  
TTTCGAGGACGATCATGGAATTGTCTTCTGTTGGAACGCTTTCTTCTTTGAGCCAAGAGGGATGGCCTCTTGTT  
GTTGGCGTTTCGTTTCGCTGTTGATCAAGATGGTACGCCTCTTTGAGCTTGAATGAATCTTTGCCGGAGTTCTC  
TATCGATGGGAGGTCCAGCCTCCATGTTGAGTTGGAGCAGTGTGGATTGCGGACTCCTCAGTGTACAATTCAA  
GGAAGTATTGGAACAGACAATCAAATGGTTTTGAAGCGACTTCATACAACGTGGAAAAAGAGATTGGA  
GAAGACGTGAAGGAAGATCTTTGTATATTGTTGCTGTGGAGAGGGTGCTTCAGATAGATGACTTTGGGGG

>trans\_c\_4853 DQ097725|Arachis hypogaea ubiquitin fusion protein mRNA, complete cds

AAAAGCAAGAACTGTAAAGCAGAGAGAGCCTTCGTCGGCGACATAGGATGCAGATCTTCGTGAAAACCCTAA  
CGGGGAAGACGATTACGTTGGAAGTTGAGTCCAGCGATACCATCGACAATGTCAAAGCTAAGATCCAGGATA  
AGGAAGGTATCCCCCTGACCAGCAGAGACTTATCTTTGCCGGGAAGCAGCTCGAGGATGGGCGAACGCTCG  
CTGACTACAATATCCAGAAAGAGTCGACACTACACTTGGTGCTCAGGCTTCGTGGTGGTATTATTGAGCCGTC  
TTTGATGGCGTTGGCTAGGAAGTACAATCAGGACAAGATGATCTGCCGCAAGTGCTATGCCCGCCTGCACCCT  
CGTGCTGTCAACTGCAGGAAAAAGAAGTGCGGACACAGCAACCAGTTGAGGCCAAAGAAGAAGATCAAGTA  
GACTGTTGATTTTGAAGAGAGGAAATCTATGCAGAAAGTTTATGCTTTGATTTATTTTCTGCATTGCTTATGCCTA  
GAACCATTTGTTTTATACTCATTAGGAGTTTGAATTGTTATGTTTTTCTTTTAACTTCTCGAGTAATTGCGAG  
ATGACAAAATAGTAACAAGAATTTAAAATAAAAAAATTGATATAACTCTTTGAATATGTAATAACTACTTTGGGA  
AGAATAACTTAAAAGATCATATAAAATCTACTTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_4854 NM\_001054817|Oryza sativa Japonica Group Os02g0775400 (Os02g0775400)  
mRNA, complete cds

AGTTTTTGGTCTACAACAATACTCGTCATGTCTATGATATCGCTGCTCAGCATGTTGTTAGTGGCGCTATGG  
AGGGTGTTAATGGTACAATATTTGCATATGGGGTGACGAGCAGTGGGAAGACTCACACCATGCATGGTGATC  
AGAGGTCGCCAGGAATAATACCACTGGCTGTGAAGGATGCATTTAGCATCATCAAGAGACTCCAAATCGGG  
AGTTTCTTCTCGGGTGTACACCTAGAAATCTACAATGAGGTTGTTAATGATTTGTTGAATCCTGCTGGACAA

AATCTAAGAATCAGAGAGGATGCGCAGGGCACATTTTGAAGGAATTAAGGAAGAAGTTGTTTTATCTCCAG  
CTCATGCACTTTCACTTATTGCAGCGGGAGAAGGGTAGGAATGATGGTGGGAAATCTTCATTTGAAATGAGG  
ATGAGTTTGAGAGTTGAGAAAAATTCGTGCAATCAACTCGAGGAATAAGGATGGATAATTTTTTCCGGTT  
TCTGGACCCAATTATGGCCTTGAATCAAACCTACAGTCATAATCTTTTAATTCTTAACTGTCTCTTTGTCAAT  
TAAATTTGGTTTTTGGAGTAATTAATTTCTATTTTCAGAGGACCAATAATGGGCATATGTAATATATATTATA  
TACAATGATACAAAAAAGGAAGCTAACAAGGAAAGGAAATTATCGAGTTATAATTAATAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_4855 AF274659|*Paeonia suffruticosa* 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AGCCCTCTTTTTGGACATAAGGCTTACTTCGGTGGGCCGATCCGGGCGGAAGACATTGTCAGGTGGGGAGT  
TTGGCTGGGGCGGCACATCTGTTAAAGATAACGCAGGTGTCCTAAGATGAGCTCAACGAGAACAGAAATCT  
CGTGTGGAACAAAAGGGTAAAAGCTCGTTTGATTCTGATTTCCAGTACGAATACGAACCGTGAAAGCGTGGC  
CTATCGATCCTTTAGACCTTCGGAATTTGAAGCTAGAGGTGTCAGAAAAGTTACCACAGTGATACTGGCTTG  
TGGCAGCCAAAGCTATGTGTTGACGAAAGGATGGAGCCGGTTCGTGAAAGAAAAGAATTTTAAAGCCGGTG  
ACATTGTTAGCTTCTTGAAATCGACCGGACAAGACAAACAGCTTTACATTGAATGGAAGGCACGAAAGGCTTC  
TACTACAACCGGGTCCGCTATCAACCGGTTAGACCTTTAGACTGTTTGGAGTTGACATTATCAAGCTTCGC  
CGAATAGTGGGTGTAGTGAGAAGAGAAGGAGAGAGTTGGNAATTTCTCACTTTACAATGTACCAAAAAACAA  
AGGATTGTCGGAGCATTGTAACGTACATATTTTCCCCTTTTTTTTCTTTCTTTCTTTTCTATTTTACATGTTAATT  
TCTTGATGAAGAATGAGATGGAATGATTCCNAAAAAAGATAATTAATTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_4856 EF684911|*Populus deltoides* DRT100 mRNA, complete cds

ATCGATTCCGGATTCTGTTACGAAAATGTACCGGCTGGCGGATCTTGATTTGTCGATGAACGGAATCTCTGGG  
TTGATTCCGGCAAATATGGGGAACATGCCGGTTCCTTCTACTTTAAATCTGGACAGTAACAGACTCTCGGGAC  
AAATACCTCCAATCTATTGAGCAACGACGGATTAGGGATTCTAAATTTGAGCCGAAACGGTCTGGAAGGGC  
AGATTCCGGACGTATTCCACCCGATTTCATATTTTCATGGCGCTCGACTTGTCGTTAATGCTTTGAAAGGTCCG  
ATACCAAATTCATTGTCGTCAGCCAAATACGTGGGGCATTTGGATCTGAGCCATAACCATCTTTGCGGCTCAAT  
ACCAACGGGTCGCCGTTTGACCACCTGAAGCGTCGTCGTTTACTAACAATGACTGCCTTTGTGGGAACCCGT  
TAAGGACCTGTTGAGGAACCGGATCGGGTTAGATCGGAATGGATGGGTCCGGTCTTGGGGTGTGGGGCAAT  
GGGGCATGTTTATATTTATTTAAAAGAAAAATGTGATAATAAAATATTTTTGCGTGGATTTTAGTGAGTGA  
CTGTGGAGGGTGTTCTTATTATTTAAATTGTTATTATTACTTTTTTTTTCTTCTAAAATGTAATCTGAATCT  
TAGAAATAATTAATTTAGTTACTTTTTTTCTTTTCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4857 NM\_001187672|*Oryza sativa Japonica Group* Os06g0149300 (Os06g0149300)  
mRNA, complete cds

ATTCCTAATTCCTTTTATCTCTTTCTACTTGCTCGCTTCTATTCTTTGTCTCAACCCATCTTATGCGTCTCACG  
GATTAACACAATATTGCATAACCCAAGAAAAAACAACAAAAAATAAAACATGGCAGTAAACCA  
ACAATTGCCTTGCGAGATGTACTTGTGGAGGAATTGCAGCGTTTGCTAAACTCGCTGGCACAATGAAAGCTG  
CTGGAGGTGCAAAGTTAGGTGCAGCCACTGCTGCCATGACAGCAGCAGCAACTGCAGCTTTGGCAAGAACAA  
AACAAGACCAGAAGGATGATTCTAAACACTCTCCAAAACAAAATAATCCTCAACGATGTAATGGTACATTTT  
GTCTTTTTGTCTTCTTTGTAATTTCTGTAGGGAAGATCTAATGTATAAACCCAACCCCCAACCTGGAAAGGC  
TTCATCCAAAACCATGGTGCTGAAAAATAAACACTGGCCAGATTTATTTTAGTTTGCCGGATTGATGGACTTT  
ATGTCACATTGTCTACCTTCCATTACTATTATACATGGAATGTTTTTAACATTTTTGTTTCTGCATTTTGTGATA



ATTTCAATAGTGTGTCCTTAGGAAGGAGAAGGTACAAGGTTGAGACATGTGATAAATTTTTCTTTATCAGAA  
GGGAATGTCTGTTTTGTGTTTTGTGCTGTTGTTTGGATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4858 U82977|Citrus sinensis pectinesterase mRNA, complete cds

CAAGATTGCAACATCATCGCCCGTGATCCTCCGAACAAAACCATCACCGTCACCGCCCAAGGCCGTTCCGATCC  
GAATCAGAACACCGGAATCTCCATCCACAATTGCCGAATCACATCCGCCGCGGCCTCAGCGGCGTCAAGGCC  
TATTTAGGCCGCCCATGGAGGCAATATTCCCGACGGTTGTTATGAAATCCTCGATCGGAGGATTCATAAGTC  
CGGCCGGGTGGATGCCGTGGAGCGGTAATTTTGCCTAAACACGCTGTATTACGGTGAGTATATGAATACGG  
GGCCGGGAGCGTCGACGGCGAATCGGGTGAAGGTTATCGTGTGATTACCACTGCGGCGGAGGCT  
TCGAAGTTCACCGTCGGGAATTCATCGCCGGTGGATCTTGTTGCCGAGTACGGGTGTGCCTTTCACCTCCG  
GTCTCTGAATTGGCTTTGTAATTTGTATGTATTATTACAAAATATCAATGATCGTTTAATTTGTTAATTATAAT  
TTAATAAAGAAGTTTATCATTAAAGAAATTAGATTTTATTATAACAAAAAAAAAAATTAATTTTACTTTTCTTT  
CGTCTCTCATTCTAAAATGATTGGGTTTGACAAGAGAATTACCATTCAAGAGGGGTATTGTATTACACTTTACA  
ATGTAAGTTTTTTGAAATAAATGAAATATTATTGTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4859 NM\_001058134|Oryza sativa Japonica Group Os03g0802300 (Os03g0802300)  
mRNA, complete cds

TGGAGAGGCTTGGTGTGAAGCCTGATTATGTTAGCACAGAACGGGGTGTTAATGTACACCGTACAAAAGTG  
GATCAGGAGGGAACAGGAAAAGTCTTGGTCAAGAGCAATCTTTTCAGATGTCTCAGAAAGTAGTAGCTCGAA  
TGTTGATGAGTTTAGGGTTTGAGGGTGCCACAGAAGTTCCATTGGAGGTCTTCTCCAGTTCTTGAGCTGTCA  
ATCTGTAACTTGGTAGCACTTTGAGAGTACTGGCTGATAGTTACAGAAAGCAGTGTTCCGGCTGTGGATTAC  
TCAGGATGTTCTTAAAAACAATGGGATATAGTAATTTTGGACCCTTGGCGGACATTGTCAAGGATGGTTCCAG  
GAATTATGTACGGCAATCCACGCACCATGGAGTCCAGCCACAGTTGCAGGCGCAGCATCAGACCCTTCTTCAA  
GTGCCTCAGCAAGTACCCAGACAAATGCATCCCCAGATGCAGCAGATGGTTCATACACAAGCATTTCAGCAAC  
AGCAGCAGCAGCAATTTGTGCTTGAAAAGATGCGAAGACGGCAAGCTGCAACCCACGTGCTGTTATGGAAG  
CAAACAAAGACAGACCACTACTTCAAGTCAAGGTTGAAAACACAGAATTGCCAATGGATGGTAATGCCTTAA  
TGCTCTTAACATCAGACATCCACAGTTGCAGTTCCGCCAACAGCAAATTGCAGCTATGTCTAATATTCATGCTTC  
ACCG

>trans\_c\_4860 Novel Gene

CCGTAGTTGAACAACCGAAAATCGGCATTCGTGCTCTTCTTCTTCTTTCTTCAATTCAATCTGGTTTTTCAGTT  
GAAGTTGTTGATTTTTTTATTTGATCCGGTTCCAACCAGATTCTGTTAACAAGATCCTTGTAAGAATCCAAAG  
TTGATGTCATTTCTGTAGCGAAGAACTCTTCTTCCACCATTGTTGAATCCTGAACCCCGAGAGCTTCGTGAGTG  
AAGAAGATGAAGCAATTAGTGAGTGTTGTTTTAGTGATTTTCATCATTGGTTTAATACCGACGTTTGAGTGTT  
GAAGAAGCCATCAGCTGCTGCTAGAAAAGAGGATATTCCGTACATCAAATGCCAAGTCTGCGAGAAGCTTGC  
TGCGGAGTTGTATACCAAGTTGAGAAGAAACAAGCCGAGATTGCTCCAAGAAGATCTCGGAGTATCAAAT  
TATCGAAATAGCTGAGAATGTTTGAATCTGAAGAAGGCAGAAGCTGATTGGATCTTACAGATCGACATTGTT  
GAACAAGGTGATAAGTTGGAGCTAGTGGATCAGAACTGAAGGACAATGCAATTCAGAGTGCAAGACGATT  
GAACGTGCATGTCAAGAGGTCATGGGATATTCTGATACCGATGTTGCTGAATACTTGTATAGCTCCAACCAA  
GATTGATTCTTTGGTTAACTATCTGTGCAAGGACCTACCAAATCGTGCACTACTAAACCGCCTCCAGTTCTT

>trans\_c\_4861 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

>trans\_c\_4862 HM147242|Brassica juncea cultivar Varuna fatty acid desaturase 2-1 (FAD2-1) gene,  
partial cds

>trans\_c\_4863 DQ199645|Astragalus sinicus isolate AsD243 USP-like protein mRNA, complete cds

>trans c 4864 AF170921|Pisum sativum G protein beta subunit mRNA, complete cds

CCAGATGGTAACCGGTTTGGGACTGGTTCGATGATGGAACATGCAGATTATTCGATATCAGAACTGGGCATG  
AACTCCAAGTTTACCATCAGCTGCACAATGATAATACCAACTCACACGTAACCTCCATTGCATTCTCTATATCCG  
GTAGACTTTTGTGGCTGGATACAAAATGGTGATTGCTATGTATGGGACACTTTACTTGCAAAGATGGTTTTG  
AACTTGGGAAAACCTTCAGAACTCACATGAAGAACGAATTACTTGCTTGGGCTTGTCTGCTGATGGAAGTGCTT  
TATGTACAGGAAGTTGGGATCAAACCTGAAGATATGGGCATTCGGAGGTCACCGGAAGGTAACCTAAGCAT  
GTGGGGGAGGGAGAGTTTAAAGGGGGTGTATTTCTGTACTGCCTTCAGTTTCACTACAAGGCCCTTGTGTTCA  
GTGTATCCATGGAAACACATTGTTCTTGCTTGTTCAAATCCTTCAATTTCTTGGTAAGTAAAATCCATACTCTTT

GCTTGTAAGTTTAGTAATCTCCTCTTCAAAGTTGTCTCATCTGAACACTCAAAGCATTAGTATTTCCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAGTGAAAAAATGAGTTTCTTGAGTTGGAGAGTTCTTTTTGTTACCTGCTATTTCTGTTTTA  
CTACATGATAATAATATAATTAGAATTTTTATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAA

>trans\_c\_4865 AY039907|Arabidopsis thaliana AT5g41810/K16L22\_9 mRNA, complete cds

CGACACCAACATTCAACAAATCCAAATCCACTCAATCCGCCGTCGTTTGGGACTGCGGAAGCTCTCTCTACGAT  
TCCTTCGAACTCAACTCCCTCAAACGCCAACTCGATTCAAGCAATTGCTTCAAGAACTCTGTCCATGCCTCACCTC  
CCCGGCCGCCGCTGCCTTCTCCTCCTCCTCCTCCTCCACCCCGCCTTCCAAAAGATCATCCAAGATTTCTA  
GGTCTCTGCACAAATTTCTCCGGTCGGTTTTAGGCACAAGACCAATTGATCCCTGGCAGCTTTGAGGCTAAT  
CCGGAACGAGTCGACGAGGGATTCTACGTTCTTTATGAAGATGAATCGAATTCACTTTCTGCTGTTCCGGAGG  
TTGGATTCCCCGGATTTTCGCTGAAATTGGGTCTTTAGTTCGGCGGACGACGTCGGAGAGATTACGGCTGC  
TACTTCTATGAGTATTTCTTGCTTGAAGGTGCCAGCTTCTTAATTAGTTCTTAGAATCTGTAAATTAATTAGT  
TTGTTTTTTAGATGTTAATTAACCTATTAACACATGTTAGGCATATTTGTATTTAGATTTTTAATATTCTCAA  
GTTTTATTATCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCGCCCTCGAAAACTTAACCAATCCCGCCAACCC

>trans\_c\_4866 DQ381434|Primula vulgaris SLL1 protein (SLL1) mRNA, SLL1-pin-associated 2 allele,  
complete cds

AGCCCGATTAAAAACAAAAGGTTTGGTTTTCTCTCCACATCTTCTTCGATCTTCGTCACCGCGAAAGCAAGA  
GGGATCAGTTTTCTCGACCTGAACTGTTGGTTGAGCAACTACCGAAAAGGGAGAACTAATTTGAGCAGAG  
AAAATGTCTTTGGGCAATGGAATGAAGTCATGTGCAAAGCTGCTGAAGCTTCAGAACCATTGTTGGTGAAAT  
CAGCTAATCGAGGGTTTCACTCAACTGGTGTGAAGAGAAATGGGAGGACATGCTCACGGACATGATGAACCAT  
ATTATTTGCACGCAAAGCATATGTACAATTTGGATAGGATGAAATATCAAAGTTGACTATGACGCTTGGAGT  
TTTAACTGCATTCAGCATTGGCGTGGGTGTTCCAATCTATGCAGTCGCTTTTCAGCAGAAGAAGACAGCCTCTG  
CATGATTGACCAACGAATGCATGTGCCATTTTAGCATCCTCTATTGGTCTTATTCGTTTTCTTAACGTTGCATA  
AACCTCGTGTCAAATGCACAGAACTCGGAACGTGGATTCTGATTTTGGCAATAAGTCTTTTCATCAACATC  
CCATTATTCGACATTTTGTTCATTCTCTTTAAACATGAAAGATTTTAATCGTTTGAATATCATCATCCATCC  
CTGCTTCTGCTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4867 NM\_001056811|Oryza sativa Japonica Group Os03g0390600 (Os03g0390600)  
mRNA, complete cds

AAAAACCTATATCTCCATCACCAAACCTCGAAGTTTCTTCATCGCTCAATCGAATCTTCAAACCTCAGAACTC  
AAATCTTCAATTTCTGCTCTACCAGTTTCCCCGAATGGCTCGCACCAAGCAAACCGCCAGGAAGTCTACTGGA  
GGCAAGGCCCCTAGAAAGCAATTGGCCACCAAAGCCGCCAGGAAGTCAGCTCCGGCCACCGGTGGAGTGAA  
GAAGCCCCATCGTTCCGTCCTGGAACCGTCGACTTCGTGAAATCAGGAAGTACCAGAAGAGCACCGAGCTT  
CTGATCCGGAAGCTTCGTTTCAACGTTTGTTCGTGAAATTGCTCAGGATTTCAAGACCGATCTGAAGTCCCA  
GAGCAGTGCCGTTGCGGCGCTTCAGGAGGCGGCGGAAGCCTATTTGGTTGGTTTGTGAGGATACGAATCT  
TTGTGCTATTCACGCTAAGAGGGTAACCATTATGCCTAAGGATATTCAATTGGCAAGGAGGATTAGAGGGGA  
GAGGGCTTAAGAGGGATTGACTTGATTATTATGTTCTAGATTTAGTTTATGGTGTAATCTGCTGTGTTTTGAT  
TTGATGTCCCATGAGTATATTGTAGGTCACATGTATATGGGACTCAACGATCTGTTTGCTAAATGAATTATCCC  
TTTTCATTTATTATCTCTAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_4868 Novel Gene

ATTTTGACCCACATTTTCCCATCATTCCCTTCCCCATTGTTGTTTTCTCTTCAAATTCGCCTTATGACAAATTA  
TTTTCCCCTTTTAGATTAACCCCTTCAAATCTTCTCTTTCTCTCAATCTCCCATGGAAGATTACAGGTACCATGG  
AAATGGGTTCAAGTGGAGAGACAATACAGAGTTCAACTATGCCACAACTCTCGAAATTTTACGAATTGCGA  
TCATATTCTGCAACTTACGCACAAACCCAGATGGAAATCAGGGATTCCCAGTTCAAGAAAGGGAAATCCCATT  
CCGGGTCTGTCTCAAAATCTTGGAGTTTCTCGGACCCGGAATTTAGAGGAAGAAGAGAGTTGCTAACTACAA  
GATGTATTCTGTTGAAGGCAAAATGAAGGGTTCTTTCCGAAACAGTTTTAGATGGCTGAAACGTAAATGCGAA  
CATGTCGTTTATGGCTGGTGGTGATCCCTTCGGATTTGAATTTGGTTGAACTAGCCACAACAAGTAGAGTATC  
GTTGATGAAGATTGACGTTTATATACAACGTACACCAGTTCAACCTTAGACTTTGAGTTGTTTCGCTCTTTAGTT  
CGATGGTACTGAGAGAATTGCTTTCCATAGTCAATTAAACCATTGGTTTCATGCCCTGAACAATGCACATTGT  
TGAGATCTTATAAACATTGATTGTGTTAATTTATTCATCAGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4869 Novel Gene

ATCGTCTTCTTCTTCTTCATCTTCTTCTCTCACTGTAGAGTTTCTCCGACTATCCTTTCTTCTTAACACTCTCTC  
TGCTTTATCAGCTCTCATCCACCTTCGCATTTCTTTCAGTAATAGCGACACCAGATCTTCAGTTTTCTGTCTTCA  
TTCCACGGTATAAAAAAGTTGGTTGTGCAAATAGAAGAAAATAAGATGAGTATTGGTGGTGAAAAAGGTTTC  
TGCATCAACAAAGACACCAGCGGACTTTCTCAAATCAATTCGGGGTCGTCCCGTAGTTGTGAAACTCAACTCT  
GGTGTGACTACCGAGGTATTCTGCCTGTCTCGATGGATACATGAATATAGCAATGGAGCAAACCGAAGAAT  
ACGTTAATGGACAGTTGAAGAACAATATGGCGATGCTTTCATTCGCGGAAATAACGTTCTGTACATCAGTAC  
ATCAAAGAGGACATTAGCAGAAGGGTCGTCTTAGCAACGGTAAGAATTCTGACAGGAAATGAGAGATTGGTC  
GGAATTGAAATTGATCATGAAATTGTGTTGTGTACAATGAAGTAGTGAATCCAATCATGGCGCCATGATGTT  
ATGTTCTTGTGCTTGTGAACAACCTTCGACCAAAAGTCATGTTTAGTAGAAATGAAATGCAAACTATGAACCTTT  
GGACCTTTCTTTTATTGGAATTACTATTCTGATNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4870 FJ362594|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L31 (RPL31C) mRNA, complete cds

CCTGAAGATCATCTCTTCTCTCGGAGGCCAATCTTCGCGTAGCTCAACTCCAGGAGTTTCTGAAGAGCTTTAAA  
AATGGTGGAGAAGACCAAGGAAGAAAGGAGGAGGTAGTTAGCAGAGAGTATACTATTAACCTCCACAAAC  
GCCTTCATGGCTGCACGTTTAAGAAGAAGGCTCCCAAGGCCATTAAGGAGATCAGGAAGTTCGCTGAAAAGG  
CCATGGGCACAAAGGATGTGAGAGTAGATGTGAAGCTGAACAAGCATATCTGGAGCCGGGGAATCAGGAGT  
GTGCCCAGAAGAATCAGAGTTCGCATTGCTCGCAAGAGAAACGATGATGAAGATGCCAAGGAAGAGTTGTAC  
TCTCTCGTAACAGTTGCAGAAATCCCAGCAGAAGGACTGAAGGGACTTGGGACTAAAGTCATTGAGGAAGAC  
GATTGATTTGTTATCTGTTTTCGAGAAGAGGTGGTAAGATGAGATTAGGGTGTAGTTTTGATCTATTGAATGA  
AAGAAGACTTATCATGTTCAATTGTAATCTTTGGAGATTTTTGTTTTAGTTAAAGTAATTTATTAATAAGTTC  
ACATGTTTTTGGGTTACATTAACCGATCTTGTTAGCTCATGGGCAAATCGTATCCATGTTATGTAATTTAATCGG  
AAGACCAAGAGCATTTTTCTTTTATTGAACTGATGTTTTTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_4871 AY224188|Medicago truncatula adenosylhomocysteinase (AHC1) gene, complete cds

GGTAAGAGGCAAATTAGGTTTTTCAATTTCCGCTCGACGAAAAATCCTTCATTTGTTCCGCGCTAGGGTTTC  
CATCGCTAACACGTTTCTTCTGTTTTCTCAAATCTCGATCTCTTCTTCTCTTTTTTTCTTCAAATCTTCGCCG  
CGAATCCCTTTCATAGTAGACACACGATGTCTCGTTGCTTTCCTTACCCACCTCCTGGTTACGTGAGGAAGGT  
GGCTAGCACCGAGGCGGCCTTGATCGAATCGATTAAGGTTTGTTCAGCTATTTAGTTGGTTTTTCATGAATGTA  
TGCTGGATTCAATTGTGTTATGATTCCAATTGATTGCGAGATCTTCTGGGATTGTAACTTTTTGGATGGGGGT  
ATATGTTATCTGTAGTCGGGAAACGGCTTTTCTTGAAAAAAATTCGACGATTGGGGAAATTTTACATGTGGG

TTTTCTTGATCGATGGAGACTTAGGGCTGTAAGTTGTGTACCATAATGAATTTTTGGACTGTAGTTTCTAGTTT  
AGATCTTTGAGAGTTCAAGTGTATAGATTAGTGGATTAGGGTTCTGCTAGTTGCATGTCGTA CTCTTCGTTCTG  
GGATCTTGATGGATGTATTCCTTCTTTTAATATCAAATAATTTAATGAAAGGTTAACTTGAAATTCGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4872 XM\_002308109|Populus trichocarpa histone 2 (HTA915), mRNA

AAACCCGTCTCTCACTCAATCACAACCTCCGATAACTCCCCGTCGACTAAAAGCTTCATTCTCTTCAACGTAAAAAC  
ACCTAATCAGTGTCCAATGGAACTGGCGGCAAGGCCAAAGAAAGGCCGAGGAGGAAGAAGAGGAGGCGAG  
AAGAAGAAGGCAGTTTCTCGCTCCGTCAAAGCCGGTCTACAGTTCCCCGTCGGCCGTATAGCTCGTTATCTGA  
AGAAAGGAAGATACGCTCAGCGTGTGGTACCGGCGCTCCCGTCTACTTAGCCGCAAGTAATGGAATATTTAGC  
CGCTGAGGTTCTCGAGTTCTGCTGGAATGCGGCTAGAGACAACAAGAAGAACAGGATCATTCCAAGACACGT  
TCTATTGGCGATTAGGAACGACGAGGAACCTGGAAAGTTGCTCGCCGGCGTAACTATTGCTAGCGGTGGTGT  
TCTTCCGAATATCAATCCGGTTTTGTGCGCAAGAAGACAGATAAGGGTACGAAAGAACCAGAAATCGCCATCA  
AAGGCCGAAAATCTCCATCGAAGGCGGCTAAAGGGTGAATTATAGAGTTAGGGTTGGATGAATGTTGTA  
ATTTATGATGGTATGTTGGATTGTTCTTCAATGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAAGTGTAGACGAA  
GAAGAATTAGGTATTTGGGAATGCAATACTGTATTCGATATTTACAAGCGAGGAATTCATGAGATGATTTATC  
AT

>trans\_c\_4873 GU227355|Punica granatum RNA polymerase alpha subunit (rpoA) gene, complete  
cds; chloroplast

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCAATTTCTCATGAAAAGTAAAAAGGGGTAAAGTAACTTTTTGTTA  
TTATTTTAAAATGGAAGTTTTCTTTTCTTCTTCCGCATGTAAAAAGGAATAAATAAATCAATCAAATTCGA  
GAGGCTTCATGAAGTGCTTCTTTAGGAGTTAACTTCCATTGGTCCATATTCGAGAAAAAGTATCTCTGTTTT  
TCATTCCCATTACATAAGATAGAATACTATGATTAACATTTCGAACAGGCATGAATATAGCATCCATAGGATA  
ACTTGCGTCTTGAAAATTATTTGGCGTTTGATATGATATCCGCGATTCCCTCTCGATCTTTAATTCAATACAAAA  
ATTAATTGGTTCCGTTAGGTTAGCTATATGCTGTGTATTATCAACGATTTCACCGAAGGTGGTAAGATGATGT  
CTTGAGCAGTTACGCATCCAGGACCCTTGACACAAATAGACGCATCACGAGTTCCATACAGATTACTTCTCAAT  
ACAATTTCTTCAAATTCATTAATAATTCATGTACTGATTCTGAATACCGACTATGGTAGAGTATTCATGTGGG  
ATTTTTTCAGATTTGCACGTGTGATACATGTTCCCTCTATTTCTCCAAGCAAAGCTTTTCGCATCGCAATGCCT  
ATAGTATCCCCTTGTCCTTCATAAGTGGAGACAGAATAAAGCGTCCATAATAAAGAC

>trans\_c\_4874 AF073744|Cucumis sativus raffinose synthase (Rfs) mRNA, complete cds

CATCCGGTGATCCCAACGGTACATTTTGGCTCCAAGGATGTCATATGGTTCATTGTGCCTACAACAGCTTATGG  
ATGGGGAACCTTCATCCACCCTGACTGGGATATGTTCCAATCCACCCACCCTTGCTGCCTTCACGCTGCCTC  
TCGAGCCATCTCCGGTGGCCCAATCTATGTTAGTGATTCTGTGGGGAAGCATAACTTTGATCTTCTCAAAAAAT  
TAGTGCTCCCTGATGGATCGATTCTTCGAAGTGAGTACTATGCACTCCCGACTCGCGACTGTTTGTTGAAGAC  
CCTTGCATAATGGAGAACTATGCTTAAGATTTGGAACCTCAACAAGTTCACTGGAGTGATTGGTGCATTCA  
ACTGCCAAGGAGGAGGATGGTGTGCTGAGACACGTCGCAACCAATGCTTTTCAATACTCAAACGAGTGA  
CATCCAAAACCAACCCAAAAGACATAGAATGGCACAGTGGAGAAAACCTATCTCTATCGAAGGTGTTAAAAAC  
CTTTGTGCTTTACCTCTATCAAGCCAAGAACTTATCATCTCCAAGCCCTCTCAAGATCTTGACATAGCTCTTGA  
TCCGTTCGAATTCGAGCTCATCACTGTTTACCAGTGACCACACTCACCCAACTTCTCTACACTTTGCCCAAT  
TGGGCTAGTCAACATGCTCAACACTGGTGGAGCCATCCAATCTGTGGACTATGACGATGACCTGAGCT

>trans\_c\_4875 NM\_128052|Arabidopsis thaliana AtMAPR2 (Arabidopsis thaliana membrane-associated progesterone binding protein 2); heme binding (AtMAPR2) mRNA, complete cds

GGAATGGGACATATCTAAAAATCTTTTGTTCATTGTTTTCTTCGATTAAAGATAAAATAAAAAGGAGAAAGT  
GATTGAATTCTTCACTTTAGTTGAAGCTACCGTCCGGCGTCCCTCATTCCGATCAATCCCCTCCAAGCTAATGG  
AGCTTACGCCTCGGCAACTGTTGGCCTACAATGGCACCGACCCATCAAAGCCCATCTATGTTGCTATGAAGGG  
CCAAATCTACGACGTCACATCAGGCGGTTCTTTCTACGGCCCCGGTGGTCCCTACGCCATGTTTGCCGGCAAG  
GACGCGAGCAGAGCTCTGGCCAAGATGACCAAGAATGAGGAGGACATCACGTCTTCGCTCGAAGGCCTCTCT  
GAGAAAGAGATCGGTGTTCTCAACGACTGGGAGAACAATTTCAAGCTAAGTACCCTATTGTTGGCCGTGTTG  
TTTCTTAAACATGCAAGTTTACGAGTTTCGCTGTGTGGTGTGTTGTTGAGTCATCGTAGTTTTCAGAAGTATTAA  
ATGAATAATCGTTCAACTCTGAATATGGGATTGTAAAATGACTGTAAAGTTTGTGTGCTTGGTTTAATAAGG  
GTCTTCAATGGCGGATTGGTATCAGTCTGAAGTCTGGTGAAATAAGAACTTGCTTACTTATTTAGCTTAGT  
TTATTATCAATTATCATATGATTCTTATGGTTTGGAGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4876 NM\_121020|Arabidopsis thaliana BolA-like family protein (AT5G09830) mRNA, complete cds

AAGGAGCGAGGTCAGTAAAGAATATGGGTGTCACAAAGGAGCAACTCGAATCTACTTTAACTTCTAACTTGA  
ATCCTCAACATCTGGAGGTAAGTATACATCTGGAGGATGCGGGGCGAGCTTTGTAATTGACATTGTCTCGGA  
ACAATTTGAAGGAAAAAGGTTGCTTGAACGACATCGGTTAGTGAATGCTGCTTTGGTGGAGGAAATGAAAGA  
GATTCATGCTCTTTCCATCAAGAAGGCTCTGACCCCAACAATGGAAGCAACAACAAGAAGAATCTGAGAAA  
TCAAAGTCTGCAGCTTAGAGAATGGTTTATAAGTAAAGTAAGAGCCATTGATAAATAAAGCATACCATAAAGC  
CTTTACAGTGATGGTGTAATCCTGATTCTGCTGTACTTGTGTATGAAAGTTTCTGCTTTTGAGTTTGTACTTTGT  
TGTGTTTAGTGAGTTTTTTTTTTTTTAAAAATTAGTATCTGTCATTTTAAAACGAAAAAGGAAAAAAAAAATGA  
AACATTGGTTTTTAGAACCCATCAAAGACTTAACCTTGTGTCTCTGTTTCTAATACATTTTGAAACATTAATCTA  
AACATGGTCAACCATCAAGTCATGAACAGTTTTTCTAAGGTAGAAAGGTTAAGTCTTTGATGGTAATGTCTTA  
GCATTGAAAGCTATTGAAATTGTAATTAAATCCTAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4877 AY052212|Arabidopsis thaliana AT3g50680/T3A5\_60 mRNA, complete cds

GCGCGCGAGAGAGCGACTAGGGGAAGCTCGGGAAGATGCTACTATCATCATCTTCTTTACTGCGATCATTGCC  
GGTACTCGTCAGAATTTAGCATGTAAACCGGCGAATCCACGGACGGGAGTGAAGGTTGAGGCCATGGCAAA  
GGAAGGAAGCGAGAGCGAAGGGGGCATTGCAGAGACGGTGGCTATAGCCGGTGGGTAGTGCGCACCCCA  
GTGATCGGTTGGTCGCTGTATACCCTGAAGACAAGTGGGTGCGGGCTGCCGCCGGGGCCAGGTGGGTCACTC  
GGCGCACTGGAAGGCGTTAGCTACTTGGCGGTGGTGGGAATCGTGGGTTGGTCTCTGTACACGAAGACGAA  
AACTGGATCGGGTCTGCCAACGGCCCTTTGCGGCTATTGGGCGCCGTGGAAGGTCTTTCATACTTGAGTTTG  
TTAGCCATCTTGGTCGTTTTTGGGTTGCAGTACTTTGAACAGGGCTACATCCCCGACCTCTCCGGCCGATCA  
GTGCTTTGGTTGACGATTCTTCTATCCTGTGGTTTATGTGGCTGTTGTTTCTCAAACGTGTGAATCGTAGGGT  
CTCTGTTTGGTTTTATTTTTCTTCTTTTCTGTTTACCGTATCGTTGCAATTCTGCGTAGAACCTGCCCTGTTCTG  
TTGTATGAAATGTGGATTAATCCAAATCATTTACTTTGCTTTGGGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_4878 AY062525|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g80270; F5I6.2) mRNA, complete cds

ACTCTCGCTTCCATTGTTGAGCTTTTCTGAGTTATTTCACTCCCGATATCATCTCACCATGTGGGCTCTTCTTAGA  
GCTTCTACTCCTCTCAGGAATCATGGGTATAGAGTAAGAACTTCATTTGTCTTTGGCAAAGTACAGGTACCATA

TTTTGGGGAAGGAAATATAGCTGGTTTTGGAACCAACCGCTACTTTATCCGACAGATTCATTTCTTTTGAGAGAA  
ATAACCTTGCAACATGGCCGTCCTCTGGGATTTGTATCAGTAGTCATGGTCTGTCTACACAAGCTGGTGCTGA  
GAACAGTGGAGAGGAAGTTAATATGGAAGATGGATTTTCCGAACTTGATGAAACACATCCAACCACTAGATC  
AGAAATTTCTGACGACGATGAGAATGTTGTTGATGATGGGACTCAAATGAACTGGATTTACCGGAGGGAGA  
AACTGGACTTGCTGAAAAGATATCTAGAAAAAGGGCTCCTTCAGAGCTGACCAAAGCTATTTGGAATGCTCCA  
GCTTTATCTGTCTGGTAGTGCACTTGATAAGTGGGTCAAGTGAAGGAAACGAACTAAGCCGGGATGATATCTCTT  
CGACCCTGACCAGTCTTCGTAGACGTGCAATGTTTGGGAAGGCTTTCAGTTTTTCGGAGTGGTTGGAAGCAA  
GCGGACAGCTCGAATTTAATGAAAGAGATTATGCTTCTCGTCTTGACTTGATTGCAAGGGTACAAGGTCTCGA

>trans\_c\_4879 AB026498|Cucumis sativus mRNA for ethylene receptor CS-ETR1, complete cds

TCATGAAAACAGCATCCATACAAGTTTTCTGGACTCAAAGTCCTTGTTATGGACGATAATGGAGTTAGTCGGT  
CAGTGACGAAAGGACTTCTTGACATCTTGGATGCGAAGTAACAACAGCAGGCTCAATTGAGGAGTTCTTACG  
AGTAGTCTCCAGGAACACAAGGTGGAGTTCATGGATATCTGCACTCCTGGTGTTGATGGTTACGAACTAGCT  
ATACGCATCCGTGAAAAATTTGCGAAATGCCATGAAAGACCATTTCATGGTAGTACTGACTGGAACTCAGACA  
AAGTAACAAAGGAGAGCTGCCTCAGAGCTGGCATGGATGGGCTAATACTAAAACCGGTTTCGATTGATAAAA  
TGAGGAGCGTGTTGTCTGGAACCTATAGAGCGTCGGGTTCTATTTGAAACATCTCGAAGGAGCAAGAGTAGAC  
AGAGAGATATCTAACAGGGAGTTGTGTGTACATAAAAGGCATTGTGGTGATGATCTTGAGAGACAAATTTAG  
GGGGCATGCCCAATTTCCAGGTTTCTAACAAACCTGGTTTACCACTTTGTACTAGATACCCAGATAGGAATAG  
GAGAAAGAGGTGTGTAAAAACGTTTTGATGAGTTCCTTGAAACAAAGTTAGATGTCATTCTGTTACTTTGCTA  
ATTTATTTTTCTTTTTAATAGAGAATGTTAAATATTTTCTTCACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_4880 AL161561|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 61

ATTGAAGAGGCTGTGGACAGGGACGATGGAGTGAGTGATTTTATTGTTTACGGGGCGAATTTGACATTTGTG  
AAATGGGATGAAGCCAATTTGTACGGAGATGGGATCATGGAATTGGATCATGAGAAACCCAAATTTGTGTAC  
TACACCTTGACGCGCGTGGGAGACGGTGGAGCAGTGGTGGTCATTCTGGGCCAGTAGACGATGGGATCAG  
TGGCCGGGACGACCGCGGGAGGTTTGTGACTGTGATTCTGCCGAAAATGAAATGGTGGGGCTGAAAGCTG  
AGTAGATGGCCAATGGAATGTTCTTGAGAAACACAAGGAATGAGTCAACAAGATATTTTGAACGAAATTA  
AGAAAAGAAGTTATCCTTTTCTTTGTGTCAAAGTTAAGATGATAAACATCGAGATATTTTCACTTCGTTGTGT  
GTTAAGAGAGGTACTAGAATAGTAAAAATACTTGGAAGAATAATGCTCATCAACATAATGATGAGCAAAAG  
TTCTTAGTAGATTCTCATCATATAGTGCATTTCTAGTAAGTTAATTAATTTCAATGGAATGTAATACATTATTAG  
ATGTATCTAATACTTAAAAATATTATTGGATGAAAATGTGACTTATTAGAAAGTGCTTTGAAACTTTTACCCACT  
ATGCATATGTAGGAATTCGTGAAGAAATAAATAAGATTTGTATGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_4881 NM\_001065547|Oryza sativa Japonica Group Os07g0175200 (Os07g0175200)  
mRNA, complete cds

AGCTTAGATCAGAATTCCATCCGATTAAGTATTAGCTCAAACCCATCCGTGTGTAGCTAACAAGAAGTGGTCT  
CGAGTTCAAATTTGACTCAAATTGTGTTATAGTACTTTCTCTCTTTTTTTTTTCAAAGAAAAATCCATCCGGC  
AGGGCGGAATTGAGTCGTCTATATAAAAAATCTCATTATCCTTGCAATTTCTGATTAGCTCGAGCAGCGGTGGTT  
CATTGGCTGCGCGCGGAGTGTGTTGATCGGATTTACATCTCCCTTCCACTGTTACAATTTTTTACAATTTCTCA  
CCTTCAATTTAATTTGCGTCAGAAAATCGAAATTTCTCCGCGTACTTGTTGAAACTCGATGGATGGTATAACTGA  
GAAATCTAGGGTTGTGACGAAGAATCCATCGCCATGTGATGTTGAAGCTCTCAAGAAATGTTTGACAGGAAAT  
AATGGCGATCGTGTCAAGTGCGAGTCTCAAATACAAGCCTTCAAGTCTTCTTGTTCCTAATGAAACCAAATCC

ATCCTTGCAATCTGGGAGAAATGACTTCGGCACCAAGTGTGTTGATTTCTATCGACCTTCTGTTCTATGTTGAAATT  
TCAAAAAACCCCTTCTTTTATTTGAGTGCAGCAATGAAGAGGTTTGTCTACAGATGTTTGTAAATTGTGGTTTCTT  
GGCAATAAAAATCTTAATCTTCCATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4882 AY727978|*Symplocos zizyphoides* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGCATATCAATAATATAAAGAAGCAGACGCGGGGCTGGCTCTTGCCCCGACGGCCGGGTATAGGTCGCGCG  
CTTCAGCGCCATAACGGGGATTTTAGCTGGTCGGATTACTTGTGACCACCGTGTGTCTCTTAGCGGATTTCGAC  
TTCCATGACCACCGTCCTGCTGTCTTAATCGACCAACACCCTTTGTGGGATCTAGGTTAGCGCGTAGTTAGGCA  
CCGTAACCCGGCTTCCGGTTCATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGAGCTCTCGAT  
TCCGTGGTGTGGCTCAACAAAGCAGCCACACCGTCCTACCTATTTAAAGTTTGAGAATAGGTCGAGGGCGTTG  
CGCCCCGATGCCTCTAATCATTGGCTTTACCCGATAGAAGTACGCCCCGCGGGCTCCAGCTATCCTGAGGGAAA  
CTTCGGAGGGAACCAAGCTACTAGACGGTTCGATTAGTCTTTGCCCCCTATACCAAGTCAGACGAACGATTG  
CACGTCAGTATCGTACGGGCTCCACCAGAGTTTCTCTGGCTTCGCCCCGGTCAGGCATAGTTCACCATCTT  
TCGGGTCCCGACAGGCATGCTCACACTCGAACCTTCTCAGAAGATCAAGGTCGGTCGGTGGTGCAACCCACT  
AGGGGATCCCACCAGTCAGCTTCCTTGCGCCTTACGGGTTTACTCGCCCCGTTAACTCGCACACATGTCAGA

>trans\_c\_4883 NM\_100036|*Arabidopsis thaliana* protein kinase family protein (AT1G01540) mRNA, complete cds

TGAAAGGGAATTCAAAGTGGAAGTGGAAGCAATTGGACGGGTAAGACACAAGAATCTTGTCAGATTACTGG  
GATACTGCGTTGAGGGTGCATATAGAATGCTTGTTTATGAGTACGTTAACAATGGTAATTTAGACCAATGGCT  
TCATGGAGATGTTGGGGATGTGAGCCCTTTGACGTGGGACATTCGTGTTAACATCATACTTGGAACCGCAAAG  
GGATTAGCTTATCTTCATGAGGGTCTTGAACCAAGGTTGTGCACCGTGATGTAAAATCAAGCAATATACTGC  
TTGATCGTCAGTGGAATGCTAAAGTATCTGATTTTGGGCTGGCCAAGCTTCTCTGTTCTGAAAGAAGCTATGT  
GACAACTCGTGTAAATGGGTACATTTGGATATGTTGCACCCGAGTACGCCTGCACTGGAATGTTGAATGAAAAG  
AGTGATGTTTATAGCTTTGGAATTTTGATTATGGAGATAATTTCCGGGCGTAGTCCCCTTGATTACAGTAGACC  
TCAAGGAGAGGTAAATTTGGTGGATTGGTTGAAAGCTATGGTTGGAGACAGAAAATCTGAGGAAGCGGTTG  
ATCCGAAGTTACGCGAGAAGCCACCTTCAAAGCTCTCAAACGCGTTTTGCTGGTTGCTCTTCGTTGTGTCGAC  
CCTGATGCCACGAANGAGGCCGAAATGGGACATGTCATCCACATGCTTGAGGCAGATAATTTGTTATCTCATG  
ATG

>trans\_c\_4884 AJ012654|*Prunus persica* mRNA for ribosomal protein S28 (rps28.2)

CCCTTCTTCCATTTGTGTGGCCGGCGCCGTGTCTACAAATTCTACAGAGTTCTCCCCGGGCTCATTTTCTCTCCC  
CCGTTTAAGGAATGGAATCCCAAATCAAGCATGCTGTTGTGGTCAAAGTAATGGGTAGAACTGGATCAAGAG  
GGCAAGTGACTCAAGTGAGAGTTAAGTTTCTTGATGATCAAAATCGTTACATTATGAGGAATGTCAAGGGACC  
AGTGAGGGAAGGTGACATTCCTTACCCTGTTGGAGTCTGAGAGGGAAGCTAGAAGATTGCGTTAGATCAAACC  
CCCACTTCACCAATTTGCAGTTGCTGAATGTTATGTTTATCCCCGTTTTGGTTTTATCTTCAAATAGAATGGCT  
CTTATCATTTTTTCTCTTTTATGTGTGGTTTCAGTGGCATTTTGGTTCTAAGCCAGAATACCTTAACTGGACGA  
GTACTTTAATTGAGTTTGAACCATCTATTTCAAAGTTTTGTGGCTGTTTGCTAACTCTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGCATTTAGTGTATGCTTGCTTTCTTGTTTCGTAGTGGTTAGAATTGTTGTTTGTATGTTTAAATT  
GAAAACAATTAGATGTGTAAAACAGACATTAGCAAGATTTTGAATGACGGTGTGTTTTGAAGTGATTTTAA  
TAGGATTTATTTATTCGAATATTTGTACTAGGTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4885 GU902260|*Brasenia* sp. SM-2010 photosystem 1 subunit A (psbA) mRNA, partial cds; chloroplast



GAGGTCCATGCAGCCATTTTATGGTAAGAGACTATGATCCAACACTCGCTCACGTCTATCTAATCTAGCACA  
TAGTAGACATCGTGATGCAATCATATCACATCTGAACTGGGTGTGTATTTTTAGGCTTTCACAGTTTTGGTTT  
GTATATTCATAACGATACCATGAGTGCTTTAGGGCGTCCCCAAGATATGTTTTAGATACCGCTATACAATTAC  
AACCCGTCTTTGCTCAATGGATACAAAACACCATACTTTAGCACCTAGTATAACGGCCCCCGGTGCAACAACA  
GGCACCAGTTTGACTTGGGGGGGTGGTGATTTAGTGGCAGTGGGCGGCAAAGTTGCTTTGTTACCTATTCCGT  
TAGGAACCGCAGATTTTTTGGTACACCATATTCATGCATTTACGATTCATGTAAACGGTATTGATACTCCTGAAA  
GGTGTCTATTTTCTCGTAGCTCGCGTTTGATACCGGATAAAGCAAATCTTGGTTTTCGTTCCCTTGATGGA  
CCCGGAAGAGGGGGTACATGTCAAGTATCCGCTTGGGATCATGTCTTCTAGGGCTATTTGGATGTACAATT  
CCATTTGGTAGTAATATTCCATTTAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTGTAAAGTATCAAGG  
GGTAGTAACTCATATTACGGGAGCTTACGGGCATACGTACCGTATTAGGTCTCTTGTGCTGATAA

>trans\_c\_4886 BT010326|Arabidopsis thaliana At4g25660 mRNA, complete cds

ATCGGAAATCCAATAGTGTATCTGTGTGTGTATTGAAAACCTCAATCTGAAAATTCCAATTTCCAATTCGCTTTT  
TTGGAGTTCAAGAAGGAATCAGATACAAAGTTTTGATTTTCGAGTCAAGCAAATTTGAAACATCAACACA  
CACCCACACACCAAATCATCATCATCATCATCATCATCTTCATCATCATCATAGTGAAGTAAATAGAT  
GACCGTCGCTGAAAGTTGTTTTGATTCAATCAAACAATTTCAATCAACTCATTTTCTCCAACCTCTGAAACAT  
TCATTGCATTCATTGCCGAATCAAGTTTCAGGTGGGAAAATCGGTCTAGATTTAGGGTTAGGTTGATTGTTT  
TTGTTCTCAAATTCTCAAAGAAGAGGAGGAAGAGGAAGAGGAAGACTAGGTTTACGGGTTAGGTTTTGGTT  
TTGCGTTTTTCTGAAAAATGACTGACGTGATACTGCATATACGACGTTACGAATAGCGGATCAGATAAGA  
CCAATAATACAATTGTTAATATCAACAAGATCTTCAAGGATGGAATTGGTCTAGGCGGTATCTCCATAGCGCT  
GTTCAGGTTTATGGAGATGATGAATGGTCCTTCGGGTTTTGTGAGCAAGGAAGTGGAGTTTTAGTTGCCCT  
CTGGACAGAATCCAATGTACACATATCGTGAAAGTATTAACCTTGGTAGAACAACTGTTCAATTT

>trans\_c\_4887 AF432500|Oryza sativa cellulose synthase-like protein OsCslE1 gene, complete cds

AAGAACTGTTGGAGCGTAGCTGAGGCAATAACTTGTGGCTGTACACTCAAAGCTTGGTGGAAGTTACAAAGA  
ATGTTACTTTTTCAGAAGAACCACCGCATTCTTCTTTGCTTTCATCGACACAGTCATCAAGCAGTTGGGGCTTTCT  
CAAATAAATTTGTTGTGACTGCTAAAGTCGCAGCGGAGGACGTGTCGAAGCGATACGAACAAGAGATCATT  
GAGTTTGGAAGCTCAGATATAATGTATACTATGATTGCAACATTTGCAATGCTAAACCTTTTTGGTTTATTGCT  
GGGAATTAAGAATGTTGCTGCTTTGAATTTGGAGTTGTTTTATGAAGGTTTGAACAAATTCATTCTCCAAATTG  
TTCTTTGTGGGCTAATTGTTTTGATAAACTTTCCACATATGAAGCCCTCTTCATTCGCAAGGACAAGGGGCGT  
TTGCCATCCTCTGCTTTGTTCAAGTCTGTTACTTTGGCTTTATTGGCTTGTATAATATATGATTGTAATATTTGA  
TTCTCAGTAACTACTTCACGTTGGAGGACTTAAACCTCTGACTTTTAACTTTTTGTTTATGAGTCATGTTGTAT  
GTTATAACTTATTTTGTATACATTTTGGATTTTGTGGGTTTGTATGTGAGGTAATTCAATGAATATGTAAAAGTA  
TCCCTAATAATTGGAATAACTTGTGATAGTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4888 AY133589|Arabidopsis thaliana At1g55160/T7N22.11 mRNA, complete cds

TCGTCGGAAATGAGCGAAGAAGGACTTCCCAAGCTCTACGCCAACAAACCCACGAAAGCTCAGATCAAACAA  
TTTCAAGAACAGCACAAAGCCGGAGACGTTCTTCTTCAGCATCATCTAGCATGGCATCCGCGTCTTCTTCTCT  
CCTCCACCGCCGCGAGCCTCCGAAAGAATCGTTTGCAAGACGATATAAGTTCTTATGGCCCATGCTTTTGACTGT  
TAACCTTGCTGTTGGAGCTTACGTGTTTATGAGGACAAAGAAGCAAGATGAACATGTAGCAGAAGAAGAGGC  
TGCCCCGGATTACGCTAAACCACTAAGATTGCTGCTCCTGTTGTTGAGGAATCATTGGCCAAACCAGCCATTG  
TGGAGCCTGTGAAGGTAAGAGAACCGATTCCGGTGGACCAGCAGCGTGAACCTTTTCAAGTGGATTTTGGGAG  
AGAAGCGCAAGATAAAGCCAAAGGATCGTGAAGAGAAGAAACGTATCGATGAAGAAAAAGCAATTCTCAAA  
GAGTTCATCCGGGCAAAATCTATTCCTAATATTTAAAACTTTACAATTGTAGCACGCAAAAACATACTGATTA

TTTCAACATTGCTGATGGAATCTGAATGTTGTCGATTTCTGTGGTTCTAGAACGGCTTCTTATGTTTCAATTCTCT  
CAAATCCTCTCTACCCACACCCAGCATGCCAGTTAACAGGATGAACACGAGAAAACCGGCAGTGAAATTCG

>trans\_c\_4889 NM\_001064935|Oryza sativa Japonica Group Os06g0686400 (Os06g0686400)  
mRNA, complete cds

ATGAACTCCCAAAATTTTCATCAATCTCCAAGAGAAAACCGTTCGGTTAATCAATGGCTGGCGGTGAGATCTCT  
GTCCCTTTTCGCAGTCGTTGCGGTGGTGGTTCTAGCGGTGGCCGTTGGCTTCGTGGAAGCACAGGATGTGCCA  
GACTGTGTTTCCAAGCTTACACCATGTGTGGATTTCCTCAAGTCCAATAATCCGCCCCGCGACTTGCTGCGATCC  
CATCAAGGAAGCTGTGGCGACTCAGCTTCCGTGCCTTTGTAACCTCTACGTGACGCCGGGTTTGTGAATTCTGT  
TCGGCGTTAATGTCTCCGATGCTATTCATCTACTAATGCTTGCGGCGTCCCTGTCGAACTCTCCAAGTGCAAA  
ACTGGTGCTCCGGCTCCGCAACAGGGTGCTCCTTCACCACCGGGAGTTCCTGGGAATGATGCACAAAAATTTG  
GGTCGACTGGAATTACATCTCTAGTACTTCTGTTCTTGGCCTCTCTAGTTGTTTATTAGGATCTTACCATACTGA  
GCATTATATTATTTGATTAAGCTATTCCATTGATCTAATAACGTTGATAAAGTTTCTTTATATATTTTAGGGTTA  
TAGTGAGTGTGAAGACTTCATATTTGGAGCATTTGTTAGATTTTCATTTGATCCCTTTCAATAACGTGTAATACT  
CTTACTATTATAATATTCAAGCTTCATCCGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4890 AY018095|Oryza sativa microsatellite MRG0420 containing (AT)X12, genomic  
sequence

ACGCATTTGACTTACGAATTGACCGCCGAAAAGTTGAAATACATTCAATTACAAGAGCAGTTTAACTCGGCAT  
CTGGTCAGGAAGAAAATGAGATCAAAAGGGAAGAAAATGTCTAAAAAGGCACGGTGACCCGTGCTACGATT  
ACTGTAAAGTACGCGCACTATATACATCTGGGAGAGAAAATAATTATGCAGTGAAATTGCTTTTAGGAGAATGT  
GTATTGTTGGCGTGTTAATAGCTCTGTTGTTGAGGCGAAGCCAACAACCATTTTTCTCAAATCTCCCATTACCC  
ATCTTCATTTGGTTCTTCAGAGTTGGATCAGTTGAGATCCTGAGTGGCAAATCAGCTCCATAAACTTCCATTTTC  
CCTCAGTAAGCCCTCAAATTTTATCTTATTATTGTCTGGATGGCCATGAGATGGAAAACAAGGAGAGAGAGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAAAGCACTTAGAAAAAGCTTTATTTGTGAAATTGGC  
CTCCTACATTTATATTTATTTGTTTCATATGTAATAATAATGAATTATTTTATGTCCAAGGACCCAAAAACAAG  
AAGCTTGCAAAAGCAGGCTGACTTGGGGCTTTTTTTTCCCCCCTCTTAATCCCCCTTCTTTCTGTTTTAT  
ATCCAACCCTATATTCCTCTTTATCTATTTTGTGAGATCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4891 X82230|T.kirilowii mRNA for trypsin inhibitor-I

ACGTAGAAACCTAAAGAGAGAGAAGTCCAAAGGGAAGAAAAGTGAGAAGAAATTAACAATGGAGATGAGT  
AAGAACACAGTTGGGTTTTTTAAGTGGAAGTGATGATTATGATAGTACTGCTCTTGGGGACTTCAATTTTCAG  
CCAACAACATGGTGGACGCAAATGCAATGGAAGTTGAAGAAGGGAATGGAATTTTTATGTTGCCAAGAAAAA  
TGATGAAAAATGGATTACTCATATTTCAATATGGAGTTTGTCTCTCATTATATGCCATGTAAACAAGACTCC  
GACTGCTTGAAAAGATTGTGTTTGCAAACAACAGGTATATGCGGTGGAAAATATTGGTGACCTCAATCATATC  
ATCTATTATATGCTTCCTTTCCTATTACAATTGCAGTTCCTTTTTTTCTCTTTGTAACTATGTGATGGCAGTT  
TTTACCCTTTCTTCCATATGAATAAATATTAATCGAGTGTGATGTTGTATGAGTCTAGTGAACGGTAAATTTG  
TTTGATTGTGGTTGGTCGACCTAATGCCTAAAAACAATAATTGTGTGTACCAATGCAATGCCCTGCCACAC  
ATAGATGTTATGTATTCTAATGCTCGAGTTAGTATCAAGTTTATGTGTGTACGTATAAACTTTTTGTATGTTGAA  
TCTTTTAAGTATGAAAATCAAAAGGTAGTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4892 XM\_002302275|Populus trichocarpa histone H3 (HTR901), mRNA

ACTTCATTCGCTCTTGAAAGATTTCCCAATCTCTTCGTCGGCCAAAATTCTCTCTCGCTTCTCAACCCTTCTTCGG  
CTTTTTCATCCAGATGGCTCGTACGAAGCAAAGTCTCGCAAATCTACAGGAGGGAAGGCTCCAGAAAGCA

>trans\_c\_4893 AY103706|Zea mays PCO107541 mRNA sequence

>trans\_c\_4894 AB097407|Lilium longiflorum ABP115 mRNA for actin filament bundling protein P-115-ABP, complete cds

>trans c 4895 AY052282|Arabidopsis thaliana At1g16840/F17F16.27 mRNA, complete cds

CAATCCTCTCCCACTCCCAAAGTCTTCTGGCTCTCTATCACCTTCTCCATTTTCCATTATCTCCATATTCCTTA  
TGTCTCGCTCTTCTCTATCCAAACCCAAATCCCTAGCCCTAACCCCTAAATCTCCTCCGCCCTCACATCTTCCGCCG  
TACTTTCTCCTCACCTTCCGATCACGATCTCACCGATCTCCCTGAATCTCCTTCTTCTCCGATCCCCTTCTTCGCA  
ACCTTGAGGACGCTATTCAACGCATCCTCGTTCGCCGATCTGCTCCCGATTGGCTCCCCTTCGTTCTTGAGCTT  
CCTATTGGGTTCCTCTGCCTTCTAATTCCATTTACCCCCATTGCCAGCGTTCTTCGTAACCTTGGCTAACCTCT  
CTCTCATGAACAATCCTTGTCTACCACTACTGTCCGTGGCTGGCCCTCTTCTCATTACTTCATTCAAGGTACGCA  
TCTTCCTTCTCTTGATCCGGAGGTTGACACCACGTCGACTGAATGTGATGCTTCCCTTGATCGCGAGGAAGGAT  
GAGAACCCGATCTGGGTTTGTTCTATTAGTTCTCATACTAAACTAGTTTCTGGCGCTATAATGAAGTCTGAAT

TATATTTTCTTTTGCCTGCAAGTTATTAGATTTGTATATTGAGATACTTTCAATCAAAGAATTAACCTTGATAGC  
TCCTTTATTGTGATTAATTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4896 NM\_119132|Arabidopsis thaliana EMB2757 (EMBRYO DEFECTIVE 2757); nucleotide  
binding (EMB2757) mRNA, complete cds

ACAGGCGGAGAGCTTTTCCCTTCTCTTTGCTTCAAATACCAAATTTCCACCGTCGTCATCGCCCCGCCCCGCC  
TCCACCACCACCACTACCGTCTTCTTACCAATCCGGCACTCTTTTCTACAGATCGAACCTCCAACGCCTTCTTC  
TCCCAGAAATGGCGTATGTGGATCATGCGTTTTCCATAACAGACGAAGACATTATGATGGATTCTCCATTCACC  
GTCAATAATCGCCCTCCTATCAAAGAGATCGCTCTTGCGTTTCTCTTCTCGTTTTCGGCATGATTGGAATCATC  
GTTGGTGCCTTCATGGCCAGTAATCGAGTCGGTGGTGATCGTGCTCACGGAGTGTTTTCTCGTTGTTGGGAG  
GTCTCTTGTTTATTCCAGGCTTCTATTACACAAGGATTGCGTATTATGCTTATAAGGGTTATAAGGGTTTCTCCT  
TTTCCAACATACCCCTGTCTAAATTCTCAAAGTTCAACCAGTTCCTTACATTTGTACAGATTTTCTTCCACTCTT  
CCTTTTCTATGAACTGTATCCGTTTACTATAGTTGAGGAGTGAAGAATTTATGTGGATTTGCATTGTGCATTAT  
CAAGATAGTCCTTCTTCTGTTTCTGAAGTTTTTCTTGTAGTGGTCGGTGACATAGCCGTTTCAATGAATGAAG  
GCCTATACATAATATAATATACATAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4897 GQ903576|Arabidopsis thaliana ecotype Wassilewskija chloroplast luminal 19 kDa  
protein (At3g63540) gene, complete cds; and CCCH-type zinc finger protein C3H69 (At3g63550)  
gene, complete cds, alternatively spliced; nuclear genes for chloroplast products

ACGGTGGCCTTGGCGGAAACGCCAACAAGAAAGACACAGCAGAATACGTATATGACGTGCCGGAAGGATGG  
AAAGAACGATTAGTATCCAAAGTCGAAAAAGGTACGAACGGAACCGACAGTGAATTTACAATCCGAAGAAA  
CGATCAGAGAAGGAATACCTAACTTTCTGGCGGGAATCCGGCAATTAGGGCCGAAGGATGTGATTCTGAAT  
AACCTAGCTTTATCGGACGTGAATTTGCAGGATCAAATCGCGAGCGCCGAGAGCTTCTTGGCGGATGAGAAG  
AAGGATGAGAATGGACAGGTTTATTATGTGTACGAGATCGACGGCGCCGGAACCTCATAGTTTGATATCGGTG  
ACTTGTGCGAAGAACAAGCTGTATGCTCATTTTGTGAATGCGCCGACGCCGAGTGGAATCGGGACCAGGAT  
ATGCTCCGGCACGTTTCATGAGTCGTTCAAGACGGTGGGATCGTATTAGATAGCTTTCTGCGGCGTCCCGAAGA  
TTTGATCGGAGAGTGTATGAATTTGTTGTTATATATATATATATATATGCTTATTCTTGAATGATGAGAATCGG  
ATGCTTTTTTTTACCATTCACTCATCTCTCTCGTCCCTGTTTTATAAATGTTTTTGGAAGATGACTTGTGGATT  
AAAACTTTATAACATTAGATTAGATGTTACATCTTTACTTCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_4898 Novel Gene

AAGGAGAGCTCGTTTCCATCACGATAAAACCTTATCTTTCTCCATTCTTCTATCTTCTCTTCCGGAGCTCTCTCCA  
TTTCTCAGCCGCTCCCCACAATTTCTCTAAACACACACATACACGACTATTTTTCCATTCAAATTCCTTCACTTC  
GTTTTCCATTTTCCGTTTCTTTACCCACCCACTCACCCACCTCTCGTCGATGGACTCCATGGACTTGCCCAAC  
AACCGTCGCAACAGAATTCAGTCTCCTCAGGTTCTTCTTCCACTTCCTCCTCTTTTACGTCTTCTACCGTTGA  
TTCCCATGTCGATACTCCCTCTCTCGATGAACCTGAGATGGGGGTTGCTGAAATTAATACTAGTGTAGTTGCCG  
ATGGGGGTGGTAGTGATGGTGCTGGTTCCGAACTGAAGGGTTTTTGAGTGGGGAGGAGGAATTTGAGTCT  
GCTTCAGATAGACCAATTGTGGGTTATCCAGAGGAAGAGTCCCTCGGGAAGTCCGCCAAGGGGCTGATACA  
GGTACTTCTTTTGTGGGTTATTCTCACTTTCTGCTCCGGTTAGTGTTAGGCCAATTGCGAAGGTTTCTGTTGAT  
AGTGACGTTGAGGAGGAGGATGAGGAGGAGGAGGAGGAAGGAGGATGACCTTCAGGTGGATGAGAACTTG  
ANGGGAAAGGAGGAAATTGAGGATAAAGTGGGTGGAGAAGATGTTTTTGTGAGAGTAAGAAGG

>trans\_c\_4899 Novel Gene

GGAAACGATCTTAAAAACCAATCGCGTTCGGTAAAAAATCTCAATATCGTATTCGTTTAGAAGAAAAACAAA  
AATTGCGTTTTTATTATGGTCTTACAGAACGACAATTACTTAAATACGTTTCGTATCGCCGGAAGCCAAAGGA  
TCAACGGGTCAAGTTTTACTACAATTACTTGAAATGCGTTTGGATAACATCCTTTTTCGATTGGGTATGGCTTC  
GACTATTCCTCAAGCCCGACCCGGCTTAATCATAGACATATTTAGTTAATGGTCTATAGTGGATATACCAA  
GTTATCGGTGCAAACCCCGAGATATTATTACAGCAAAAGATGAAAAAATCGAGAACACTGATTCAAAATTA  
TCTTGATTCATCCCCCCTCAGGAATTGCCAAAACATTTGACTCTTCAGCCATTGCAATATAAAGGATTAGTCAA  
TCAAATAATAGATAGTAAATGGGTGAGTTTAAAAATAAATGAATTGCTCGTTGTAGGGTATTATTCTCGTCAGA  
CTTAAACCTAACTAAAAACAAGGGTTCGGACAATTTCTGCTCCCTTCGCCGAAGTCTAAGTAAAGAGACC  
GAAGGAAAGTAAGGTTTTGATCCGGAATTTTTCTATCATTCTATCATTGATCGGTAGGGGGATTTTCATC  
TCTTGTCATTCTTCCAGTCTTTTCGTTCCGTACCACACCCCGAGCTTCGCCCTCCGAGTATT

>trans\_c\_4900 XM\_002865037|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin-NADP+ reductase,  
mRNA

TAATGCTACAGTTATTATGCTTGCAACTGGAAGTGGAAATGCTCCATTGAGATCTTTCTTATGGAAAATGTTCTT  
CGAAAAGCATGAAAACACTACAAGTTTAAATGGTTTGGCATGGCTGTTCTTGGGTGTCCCAACAAGTAGCTCACTT  
CTTTACAAAGAGGAGTTTGAGAAAATGAAAGAGAAGTATCCGGAAAACTTAGGTTGGATTTTGCGGTAGT  
AGAGAGCAAACGAACGAGAAGGGTGAGAAGATGTACATTCAAAGTGAATGGCTGAGTATGCTGAGGAGCT  
TTGGGAGTTGTTGACGAAGGACAATACCTTTGTTTACATGTGTGGACTTAAGGGCATGGAGAAGGGTATTGA  
TGACATTATGGACTCTTTGGCTGCTAGAGATGGTATTGATTGGCAGGAATACAAGAGGCAAAAGAAGAGATC  
AGAGCAATGGAATGTGGAAGTTTATTGATTTTATAAAGATAACTTTGTACATTTTGACTTTTGAAAGAATCTCT  
CTTCAACCCCTACCCCAACCTGCATTATTGTTGTTTTATTATCATCATTATTATTATATGTAGACACAGGTAATT  
TCCTTTTTTTTTCTTCTTTCAAATTTAAATGTATTTTCTCCATTTTCACTTTCAATTCCATTGTTAATTATGACC  
TCATAAGAAAAGGAATTGTTTCTCATTTATGAGAATCATCCACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4901 Novel Gene

ATAGACATCGTGGTTGGCTTGGCATTGAGGGAAATTAGGGCATCATACTTCTGTCTTCTCCAACGCTATTTTAA  
CGCATCTGAATTGGCATTGATTTATTTAAATTTCTGGAAACGAGCATGGCGGGTGGAATTTATCCACAGAGT  
ATTTTCTTACCTCGTGAATGAGGTTCTCGTCAACAGTCTTGCGAACAGCCGTTCTTTCAAAGGTTTGCTGTGA  
AGACATCGAAACAAATTGAGGATATATCTACCAAGGCTGCACAGAAGAAGCAAGAACTTGCAGAACAAAGTGA  
AAGATTTCTCAAAAATTTTGATTCTTTCAAGAACCATTAAATGTGGAGTGGAACGTTTTATGGCAACATGATGT  
AAATCCTATTCCAATTTTACTCTTAATAGTCGCAGATTCCCCGAAGATTTGTTTAATAACCTTATCTTGTCTACGT  
GTTTTGTAATTGTGACAGTAGAATTCTAGATTTGTTCTTGGTTACCCGTTGCCTTTGCCTGTAATTGAAGCGA  
AGATGAACTGATTTCTTCTTGGCTTATGCCTGCATGTATCTGATTTTGTAGCTTTTTTCCCCGCCATTATCATCA  
TTGGACAGTGGGACTTTTAAATAGGTCTTGAAACAAAGACATGGCAATTGAAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4902 FJ117353|Pinus taeda isolate 4327 anonymous locus UMN\_6558\_01 genomic  
sequence

AACCGCAACAAGAGGAAGGTTCCAGCATTTTGCAGAGATCAAATCTCCCATCAATGGCGTCAAGGTTTCTC  
TTAGGAGCAAGGGGAAGAGCTCCAAGTCTTCATCCAAGTCAGAGAAATCCGCTACTCAAGCCTTCAAGGAGT  
GGACTACATGGGCGGTAAAGAAAGCTAAGGTCATCACCCACTACGGCTTTATTCCTCTGGTCATCATATCGG  
CATGAACTCCGAGCCTAAGCCTCAGCTCTCCAACCTCCTCAGCCCCGTTTGATCTGATTGCTTTCTCCATGATG  
GATCGGGTTTTGTTTTATATGGATGTTTTGTTGGGGGCTAGTTAGCGTATAAATTTTAGGTCAGTTTGAGTATA  
ATGTTACATGCTTGAACCTACAGAAGACATGCAATAGTTTGAGGCGAAAGTTTTGATCTATTTTTTATTCTTCT

CAAATATCTGTTATTACTTCACCGGTATGAATCTTGGTAATACGCTTCGTTTTTCTGAGTATTGTCTGTTTATTC  
AAATAATTGAACGGTTTTAGGGTTTTATTTCCGCTATCTGATCCGTGATTCCTAAAGACTGTCATGGATTTAAGC  
ATATAAGACTGATATGGGCTGTACTATCAAAAGCCCCATTTTGTAAATGCCTGTTTGTCTGCCTCTTATTTCAAG  
TTAATAGGAACTGATCAAGGATTTATAGTCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4903 Novel Gene

CCTCTTTGCCTTTGGTTAACTTCAATTCCCTCCGAGACCCAAAAACCCTAATCAATCACAATGAAGTACAACCCC  
AGAGTCTCCAGCTCCCGCCGTAAGAATCGGAAGGCTCACTTCTCCGCGCCGTCGAGCGTACGGCGGATTTTGA  
TGAGTGCGCCTCTCTCCGGCGACCTTCGTTCCAAGTACAATGTTTCGCTCCATGCCGATCCGGAAGGACGACGA  
AGTTCAGGTCTTGAGAGGAACTTACAAAGGCCGTGAAGGTAAGGTCGTACAGGTCTACCGTCGCAAGTGGAT  
CATTACATTGAGCGCATCACTAGAGAGAAGGTGAATGGCTCCACTGTTAATGTTGGAATTAAGCCGTCGAAG  
GTTATGATTACGAAGCTCAAGTTGGATAAGGATAGGAAGTCGTTGCTTGATCGTAAGGCTAAGGGTCGTGCTT  
CTGCAGATAAGGATAAGGGCACTAAATCACTGCTGAGGATATTATGCAAAGCGTCGACTAATTTTAATCTGG  
TGAAAATTTTTGAAATTTCTCTTAGTTCTTTTTAGTTCTTTCTCTGTTTTGATTTGCTTTCAAAGTGAAGGCTTT  
GTCTTTATTTGTTCTGGAATGAGGAGACAATGTTTTATTGTTTTAATTTTGATGCTTCGAGTTCTGCCTTTGCTC  
TCAATACCTGTTTTTTTTTTTTTTTTTAATTTTCAAGGCAATATTTAAAAATCTTTTCAAAA

>trans\_c\_4904 AL161591|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 87

CTCAATTACATCTCGCCTTTCATCTACATCTAACTCACTCAGAAACCAAAAGAAATGGGGATTTGTGTGTCGTCT  
GATTCTACCAACGTTGCTACAGCGAAATTGATTCTTATTGATGGAACATTGGTTGAGTATTCATACCCGGTTAA  
AGTTTCTTACGTCTACAAAAACATCCGTCGAGTTTTATCTGCAACTCGGACGATATGGATTTGACGACGTCG  
TTTACGCCGTTGACGAAGACGACGAGCTTCAACTCGGGCAGCTTTACTTTGCTTTACCGTTGGAGAGGCTGAA  
TCAGCGGATGCAGGCGGAGGAAATGGCAGCATTGGCGGTTAAGGCGAGTTCGGCGCTAATGAAGGGCGGA  
GGTGGTGGTGGGATGGAGAAATGTGGATCTAAAGGGACGGCGGTTATTCCGGTGGGAAATTGCGAGGAGG  
AGGAGGGGTTTAGGAAGGAACCGAGAAAGGGGGTTTGAAGAAGAAGGGTGGAAAGTAGGAAATTTAGGG  
CGAAGTTGAGTGCAATTCGGAATAATGGAGTTTTTGTAGGGTTAATAGTGTAATATGATATGTTGCTCTTT  
GAGGATGTTTCGTTTCTTTGTCATCCCATAGGCAATGGCATCTGATTCTTTGTTGTCTACTTTTACATATTTACCC  
CTCAGTATAAGAAATTATTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_4905 XM\_002331651|Populus trichocarpa SET domain protein (SDG912), mRNA

ATCAAGTTGCTGACTATTTCAAGAGACGACTGGCTGGCTACCCAACCTGAGTGAAGACGAATTTCTGCT  
GGCTGATGGTAATTTGAACCAAAAAAGAGAGTCGTACCCAGCTTGTTAGATTAGAAAAGAAATACCTCAT  
TCATGCTTGGAAGTGACAATTGATTTCAATAATCAGTTACCGGATCACACTGTATCTCCCTGCCCTGCTCCCTAT  
GCCCCCTTATTGAGATAAGTGAGCTGTAGATGTTCTTCCAGCAGCGGTCGTATGTCTGTTTTATGACATCTATT  
TTATGATATCGCAATTCGAAGCAAAATCCTCCATCCCATGATGAAGCTTAAAGGTAAATCTAAATAAGCTGCC  
CACTACATAGGATGGCTGATGTTTCAGGGTGGTCAGGTATTGAAGATAATGACGACAATAATGATTATAAGTT  
GAAAATGTTTGGAGGCCAAGGATTTGAAGTTACCGAGTAAAGCCATATTCCTTCTCTCTTTAACATTTCGTGGG  
TTTTCTTACAGTCTCTAATACTCACTTTGTCCATTGCTTCTGTAAATAACCAGAACTACTCCATTCTTCTCTCAAT  
GGATCCCCCTTCTTTTCTAGATATCTTCTTTCCATATTAGCAGTTCTCAAAGTCAACAATCATAACTAACAATAG  
TGGAGATAAAATTTTTGTTTTTTCAATTGACATGCACTCATTCTTTGAGTTTAGAAGTT

>trans\_c\_4906 Novel Gene

TCTCCTCATCCCTTCCACATTCACCACCAACTCCCTTTACGCCATCTTCACCTCCATTCTTCTTTGATGCATCTTGT  
AGCTGCAATGCAAACCTCCAAACTCCAAACTACATCATTATCGACGGTCGCCTTATTCCCTCATCTTGGATGCA  
ACTACTGCGATCTCTACAACTTTCTCATGCATTCTGGTGAGATCTCGTTCTTGATGTTGCGATCAATAATTTG  
AGCGATTGTGTTGTTCTGGGCACACCGCTGGACCCACCCTGCGATGTGTGTTTGCTTCTTGCTGCAACCCGCA  
TCAATGGGGGACGAGCGCAAAGTACTTCGCAGAGAACTACTCCAAATGAATATACATCCGATTTTTTCAGTTAG  
CTGTTGTCGACGGTAGTACTCTGGGTCAAGGTAACCAAAGCTACCTTTACCTACTGTACTTATGTGTGCTTTGG  
ACATGTTTCATTGGTCCGACTTTTGACAACCCAAAATCGGAAACCTTTGCCATCCATTTCTCGTCCAATAAAATAT  
TTGTTGTTTTTACGTCACGATGGATGATTATGTGTTTGGTGCCGGTGTGGAGGTAGTGTAGCCCTCTTGACAGCT  
CCAATGCAAATTTGGAGGCGTTGTTTGCATGTGAGAGGTTGTTTCATTGTTCCCGTAAAGGTGACTTCGAAGTG  
TTCCATGAGACATGTAATCATACACCAGAATCATTTTCATTTTCATCATTACAAAATCCT

>trans\_c\_4907 NM\_128993|Arabidopsis thaliana O-acetyltransferase family protein (AT2G34410)  
mRNA, complete cds

ATATATGGATTGTTGGAATGATCTATGCCTATTTTCACCCCAACGTCGAGAAATGGATGGAGAAATTAGAGGA  
AGCTGATACCAGGAAGAGAGTCTCTATAAAGGCGTGCATCGTTACAGTTGCCTTGTCGGTTGGCTATGTGTGG  
TATGAGTGGATTATAAGCTGGACAAAATTTCATACAACAAGTATCATCCTTACACATCATGGATTCCCATAAC  
TGTTTACATATGCCTGCGGAATTTTACCCAGCAGTTCAGAACTACTCTTGACACTATTTGCGTGGCTTGGCA  
AGATTACCCTCGAAACTTACATTTTACAATTTTATATATGGCTGAGATCAAATGTACCCAATGGACAACCTAAG  
TGGCTTCTTTGTATCATTCCAGAATATCCTATGCTCAATTTTATGCTCACCACAACAATCTATATATTTCTCTCTC  
TTCGGATATTTGAATTAACAAATACTCTTAAGGCTGCCTTTATCCCCACAAAAGATGATAGGCGTCTATTGCAT  
AATTTACTTGCCGGTGGTGAATTGTTTATGTTTATACAGCATGTCATTGATTTTCTCGGTTTCTTCGTTTAA  
GATATTATGTGAATGGAAAGAGCCATTTCTACACTGTTTATTTCCAGTTGGAAATGTGCAAAAAGTGAAAGGAA  
ATGAATTTTTTGGTTGCATATCCCAATTGGTTGCATAGGCTTCCTTNCACTGTCCTTTTA

>trans\_c\_4908 NM\_001186793|Oryza sativa Japonica Group Os03g0857750 (Os03g0857750)  
mRNA, complete cds

AAGGAATTAGTGTTAGAATGAAGAAACAGAGCGAGAGTGGTAAATGTGAAGAAATGGAGAAGCTTTGCCGA  
ATATGTAATCGCCCCTATCTTCCATCCTCCAATTCATCCTCTTCATGCCGTTTCCATCCTTCTTTTTTCGTCTGT  
TCGTACGACGACCAAAAGAGGTACTATGAATTGGGACCCAATGACCCGCCGTATGCTGCCAAATCTACGAC  
TGTTGTGGGGCTGAGGACGTCGAGGCGTCTGGTTGCACCACCAGTTTCCATGTTTCTTATGATGAATGATCAT  
GACGACAATATCTGAAGCTCATTTTTACTCAGATGGTGTAAAGTAAGTTCTGAATCTGGGACAGAGAAGATTA  
TATGTCCATTTCTCTTGGGACATTAGAGAGAGAGTAAAAACAAATGAGTGGTGAGGGATTACATGTAGGATT  
AAACATTATGGAAATGAAGTGTAGAAAGATATGGTGGTTACAGACTACAGAGTGTTTTGTATATATATATATA  
TTTTTGTGTTGAGTTTATTTCTTCAAATGTTCTTGGAGAGAGAGGGGGGGTTAAAGTATGTAATGTTTGGCTGA  
CACTAGAATATGAATAACAGTGAACAAATAAAATAAGAAAAGAAACACATGTTCTGTTCCCAACGTTTGCC  
CATTCGAATAAATGCTCTGCCTCCTGGGGGTCTTTCCAAAAA

>trans\_c\_4909 AY108417|Zea mays PCO144905 mRNA sequence

ATTTTGGCCTCATTCTAAATCGTTCCGACGTTTTTCTGCTTCGATTTGCGTAAATTGTTGCTCCACCAATCTTCC  
AGAATTCCGGCGACGACCAATCAGGAAATAATAGCCTCAAATGGAGTTAGCAGACAAGACGGTTGGATTTT  
TGTTATCGCTAACGAGCTTGCTATATTCATTTACTATACTTTCTGGGTCGTTATCCTGCCATTTGTAGATAGTG  
ATCACTTCGTCCACAACATTTTCTTACCACAGGAATACGCTATATTGATACCTGTATTTGCTGGTGTGGTACTTC  
TATGCTTATTAGGCATATTTGTAGGAACTGTGATGCTCAAATCCAAAAGAAGAAGGCATGACTTTACTTTTTT  
TGGCAGTTCCTTTTTTCTTTTCTTTTCTTTACTGTTTCAAAGCTTTTTCTTTTTCATTTTCTTTTATAATTTAGTAG

>trans\_c\_4910 AY456411|Lycopersicon esculentum ribosomal protein L3 (RPL3) mRNA, complete cds

>trans\_c\_4911 NM\_102795|Arabidopsis thaliana GTP binding (AT1G30580) mRNA, complete cds

>trans\_c\_4912 DQ399826|Lycopersicon esculentum GRAS4 (GRAS4) mRNA, complete cds

[illegible]



>trans\_c\_4913 Novel Gene

AATTCAAGATTCTTCGGGGGGGAAAAAACCGCAACTCCAAGCAAAGCGATGGGGCAATGCGTAAGTTGTTTA  
GACGAAGGTCAAAAGCAACAGAGAAAAGAGGAAGAACGATTGGCTTCCGTCGAAGCTCGCGCCAAAGCTGC  
TGAAGCCGCTCAGAGAAGGCAAGAAGAGTTTGAAAAATCTGCTGCAGGAAGGGCTGCACGTGCTCAGTTGG  
CAGCAAATGCAAAGCAATCTGCTAACACTAACAAAGGGCGAACCAGTTCTTAAGTGGAGTATGGGGTGAGGTC  
GTGCTCTATCGTCAGCTTTCACTTATGTTAATGAAAGGAAAAGATTGTATATTTATCCGCATTCCTTGGCTCCGC  
TCATGCCAGGCTACTTGTCTATATCCCAAGTCTCCCAAGGCAGAAGTCATTGAATGGAGCTGCAGTCTTGTAT  
TTGTTATACATTAATCAAGGAAACAAAAGTGTGCGAACTTTTATTTTCGACAATGCTTTTCCGTGTAAATTTT  
CCCTTAAGTTGTTATGTCTCAGTCTCAACTTACAGTTCATCCATATTCAATTACTGTACAGACACTTCCCTGCAC  
CAACTTCATGTTTGGCTCTGTTGACAAAAGTCCCAATGATATTGCTAAGACATGCCACTGTGCTTAACTTTGA  
CATACAAATAAAATGTGCGATTTTTTCTTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4914 NM\_001075085 | Oryza sativa Japonica Group Os11g0706100 (Os11g0706100)  
mRNA, complete cds

AACTTCATTTGCGTTGGCAGTAACTGTAAGAGCAGATTGACATGGCGGTTCTTCCCACCACAACTGCAACAC  
ACCCAAAACCTGAACCAATCTTCTTACCGGCCGCTGCCATCAACGGCCCTTCTTGCCGCCGGCTTCAGTA  
TTCGTTTTAATTGCCGAAGCTCCGTCGCCGTTAATCCTAAGCCAAACGCGCGCCACATCGAAGTCAAGCGC  
GAACAGCGACCAAGATGGCGAAGTGGACAATTTGGGGGTAAAGCTGCACTGTCCATGCTTAAATTCTACAA  
ACGAGAAATCTCGCCGCTATTGCCAAATAGTTGTCGCTATTTACCTACATGTAGTGAGTATTCGATGCAAGCTT  
ACAAGAAATACGGTGTGGCAAGGGTACCGTCTTGACTGCTTGGCGTCTCTGTGCTGCAATCCCTTGGTGG  
ATCTGGGTTTGATCCTCCTCGGTGGTTTGATGAAGAAAGATTGCCAGAACCAGAAGATTGACAATTTCAAATG  
CTTTGTTGTGTTGGCTAATGTGTTGGTTGATTGTTGGGGGTGAATTTGTGAGAGCTAACTCCCTGTGCAGAGC  
GAAGAATGTTGTAGAAATTAGCATGTTACACGAATATTTTGTAACTGGAGTTGTGAATGTGGAAGTTGTTCT  
GAGAATATAACATAATATATGTTAGATTACAATTGTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4915 NM\_001069328 | Oryza sativa Japonica Group Os09g0293900 (Os09g0293900)  
mRNA, complete cds

TTAGGGTTTTAGCTGAGCCAGTTCTCCATCCTTTCTCAAGCATGGCTTTCTGGGGAAGTGAAGTGAAGCCTGG  
AAAGCCTTTTACTCAAAAATTTGATGACTTCAAAGGAAGGCTCCATGTTTCGCTGGCAACATTGGGGTTTGGTA  
CAGCGACAAAGAAGAGTGTTCTTCAGTGTAATGTGGGGAATAAGAGTCCTGTCTATCTATGCTCATTGTTTCCT  
GAGAAGACTGAGTGTTTGCAACTAAATTTGGAATACGAAGAGGCTGATGAAGTCATTTTTTCAGTTATCGGTC  
CTCGAAGCATTACCTTTCTGGTTATTTTCTAGGCAGTTGCCGTCACAATAATGTAATTGATGATAATACAGAA  
TCTTATGGAGAAGATATTGCAAACACCGAAACACAGAGCTCTGAGTATGCTGACGAAGACAAGTATGAGGAT  
AGCTTTATCAATGACGAGGATCCAGAAGTTTACTCTCCTTCTCCTATTTCAAATGAAGAAGATGAACTTTTGG  
CAAGAATAAAAAGAGAAATAAAGCTCGCAACAGTAGGCGGCTCAGAAAGAGCTATCAATTGAGTGAATCAG  
AAGATGAAGAAAATTCTCAACCTGAGAATATTGCAAAATCTGGGATTCCTTCTCAGAATTGGAAAGTTTAGA  
TGAAGACAGCCGTCGATATCCTTCTTGTGCAATAACAGAAGCAAGGGAGAGAATACTACGGCTGCAAA

>trans\_c\_4916 D86306 | Cucurbita moschata mRNA for proton-translocating inorganic  
pyrophosphatase, complete cds

CCGATTGCAAACCTTTCCAATCGCTGCAGTTGTGTTTCCAGCAGCATCAAGGGCATCGGTCTCTCCCGAATT  
CTGTGGCTCATGCCAGCCATCTCTGCAATGCCTCCAGCATTGTCACTGATTGGACCGTACGCATCGATGGCCAA  
ACCAAGTAGCAATTGTACTCAACATTCCAAGGGCCGCAACGGCAATGCCATACATTGCAGCAAAGGAGAACTC

ACAAAAATACTAACTGCAATTGCAAAGATAGGGATAATGACAGATTTGTATCCCAAGGCCAAGCCAAAAATAA  
CATTTGTAGCAGCTCCAGTTCGACAAGAATCAGCAACATCTTGCACAGGGCTGTATGCATTGCTAGTATAGTA  
CTCTGTCAAAATCCTATTATCAGCCCAGCCCAAAGACCAACAGCAACGCACAAGAAAAGTTCCAGTTCTGTA  
CAACTTCAAGAGTTCCAAAGTTGAAGATGGTGAATTTTGTCTGGAACACCCACCCAAGTAACAATTGCAATTCC  
AAAGGTCATTATAACAGTGGAATAATGAGTTGATTTTTCAATGCTGGCTCAATTTCTTAACAGCCTTGATCT  
CAAAAAAATCCGTTGCAAATAAAGTGGTGACCAGGCAGACAAGGATACCCATAGAATAACGATGAGTGGAT  
AGAGCATTGCTGTGAACATCATGGTTGTTGCCGAAAGAGGAGATAGAAGCAACAACGAGAGCAGCAC

>trans\_c\_4917 NM\_001084317|Arabidopsis thaliana DNA binding / nuclease (AT1G67660) mRNA,  
complete cds

CTTTTTCTTCTTGACTTGTGGAACATTTCCACTGCACCAGCGGGATAAACCCCTCAATCAATCCTATTGGATTGC  
CACCATTGACGCAATCGGCAGCTCGAACTTCAAGCTTAAATTTTATGGCGCATCTCTCATCTTTTCTGTGAAAG  
TTCTAATAACACGATGAAGTTCGCTGCGGTCTCTTCTCTCAGTCCGGAGCGTCTCGAAGTCTTTTTCATGGTG  
GTTGCTCTTTCAATCAAGTGCCGCCAGTTGCTTCATTTTCAAGTTCGAAATTTCCATTGAACCTCGATTCTTTTT  
GGTGTGTGGGTTGTGCAGAACTATGTCAGAGTAACTCAGTCGAAATTGCCATCATGTCAACAATGAACAAC  
ATCTCCATTGCTAGAATCTGCTGCAGGGACTCTAGAAAGAATGCAAACTGTACTTAAACGAAATCGCGGGA  
TTGCTTCAAGATCTTTTCAACATGTGCCACGCCATCTAGTTACACAACAAATCCTCCGGTCATCTGGTTACCTT  
CACCTTTGATTTTGGCTTCCAGGTCAACCAATCAGTTGCCCCTCAGCGTTCAGAAGAATGGTTTGCCTAAGG  
AGAGACAAGCTGACTACAAGCACATTACAGCACAGCCTTAGGCTTCTGGAAAGGAAACCGTCGCTTTGAGCTGT  
GGCATGAGAAAGTATTCCCTTCAGAGACTCAAAAAACAGATGCACCACAGCAAAAGCCA

>trans\_c\_4918 NM\_001084535|Arabidopsis thaliana EDA3 (embryo sac development arrest 3);  
heat shock protein binding / unfolded protein binding (EDA3) mRNA, complete cds

AACCATGGCATTGTTAATTAAGGTGAACGAGTGGCGCAAACCACAGAGAAGATGATGGCGTCTTCTTCTCAT  
CTATCCGCCATTCCCCTGCGCCGCCCTCTTCTCTCTACACCTTCTTATCCCATTCTAACTCAAAGCCTGTTG  
TACTTCATTTGACATCGAATTCTGATGATGAAAGCTGCAGTACTGGAGATTCAAGAACACCATCAAAACCGCT  
AAAAGGAACTCAAACTTGATTTCTCGTCGATGGTGCCTCACATGTTTATGTTTCATCTGTGACATTGATGAAGA  
ATTATGGGGGCACGACTGAAGCTATTGCAAATACCATGGATGGAAAACCTGTGTGCCGAAATGGTGGAGGAA  
GTGGTGCCGTACTTTGTGACATGTGCGGTGGTACAGGGAAATGGAAAGCTCTAAATAGAAAACGGGCTAAAG  
ATGTCTATGAGTTTACAGAATGTCAAATTGTTATGGTAGAGGAAAACCTTGATGCCCTGTTTGTCTAGGAACT  
GGTTTACCGAACAAACAAGGTCTCCTAAGAAGGCCGATGCACGACAATTGCTCGATAAGATGTACAACGGT  
CGCTTATTACCAATTACTGAACCTCATCTCTCATGTCCATAGTTGGTAATAGATGTATAACTGTTTCTAGTT  
GGTAGAAGTTACCTAATTGCGGCTTTTGTCTATGGTTGCTTACGACGGAAGTTCATGAGTGGAAA

>trans\_c\_4919 Novel Gene

GAGAACTACGATTTAATCGTATGTTGTGATGGGAGCAAAATCTAGGGTTCTTTCTCATTTCAGATCTCTTCCC  
GCGATTCTTTAACCTCTCTCTCTCTTTAAACAATTTCTCCATTTAAAAGATAAAGCTTCTGATTCCTTACATCT  
CTCTCCGCATCTTCTTACTCAGGTACCGGTAGATTGCTTGGGTGATTTTGTGTGGGAGGATTTTTCAGGGGAA  
GTTGCTACTGGCGATGAAGCTGGTGCTTTACTGGTAGACCTCAATGCCGGACGAAGATTGATCGAGCTTAA  
GTTCCGACTTTATGATGGATCGGATATCGGTCCATTTGTTATTCCCCAACTTCAACTATAGCCATGGTTAAGG  
AGAGGATTGTTGCAGAATGGCCTAAAGATAAGAAAGTTATACCCAAGGCAGCAAATGACGTAAACTGATCA  
ATGCTGGCAAGATTTTAGAAAACAACAAGACTGTTGGTCAATGTCGAGTGCCTTTCGGTGATCTTCTATAGG  
AGTTATTACTATGCATGTCGTGGTTCAGCCAACTATAGCAAAAGCAAAAGCAGAAAAGAAGTTGACGAGAC

CCCAACAAAAAACGTATGTTTCGTGTTCCATATTGTAGGAAGGACGGATGAAAGGTAAGGAAGCTTGAGATTT  
GCCAGGGGCTAGTTCCAGCCAGCCTAATTGGGGTCGCATTAAAGTTGTAGCTTGCCAGAGAATAT

>trans\_c\_4920 BT010824|Arabidopsis thaliana At1g12440 mRNA, complete cds

AATCGGTTTTTCTTTCTTTCTTTCTGTTTTCTTAATTCTCCTTGAGGGTTTCCTAAATCTTTGATTTTGTCTAA  
TTCCTGATTTGAATTTGTATCCTAGAACGGAGGGTTTTGGTGTGTTGAGTTCCTTAGATCTTCTACTGGCTTAAG  
AGCGAATTAGACCAAACGAGTTGGGAAAATATGGGTTTCAGAGCAGAACGATGGCACAAGCTACCAGCCATCG  
GAGCCGAAGCTTTGTGTGAACAACCTGCGGCTTCTTTGGTTCAGCTGGTACCGAGAATCTCTGCTCGAAGTGCT  
ACAGAGACTCTCGAATCAAAGAAGAGCAAGCGGCATCGGCAAAAGCAGCGATGGAGAAATCCCTTCAGTCCA  
AAATTTTAAAGCCGGCTGAAGGTAATTCTCCAGTTGTCTTCTCCGATTTCATCAGTGGATTACAGTTTCATCGTCAT  
CATCCACTGGAATTTCCCTCGGCAGTTCCAGCAAATCCCCATCACCGGATGTACCAAACCGGTGCCGAACCTGC  
AATAAGAAGGTGGGATTGATGGGGTTCAAATGCAAGTGCAGCTAACTTTCTGTGGAATTCACCGGTACCCA  
GAGAAACACAACCTGTTGTTACGACTTCAAAGTGCTGGACGGGAGGAGATCGCCACAGCCAATCCTGTGGTG  
AGGGCCGATAAAGTTGAAAGGTTCTGAGTTGTGAGAAGGATTTGGGTAGGAACTTGGTAAAT

>trans\_c\_4921 DQ447159|Nicotiana tabacum NAK-type protein kinase mRNA, complete cds

AGAGATTATCATTGGTGCTGCTCAGGGCTTGGCTTATCTACATGGAGGATTAGAAGCTCAGGTGATATATCGC  
GATTTTAAATCTTGAACGTGCTATTGGACGAGAACTTCAAGCCTAACTCTCAGACTTTGGCCTTGCTAGAGA  
AGGACCAAGTGGTGATCACTCACACGTTTCTACAGCAGTGGTTGGAACGCATGGATATGCTGCTCCTGAATAC  
ATTGAGACAGGTCGTCTAAAGAGCCAATGCGATGTATGGAGTTTCGGTGTGGTTCTGTATGAACTTCTCACGG  
GCAGACGAGCTTTGGATAGAAACCGTCCCATGGGAGAGCAGAACTTCTCAGTGGGTGAGACAATTTCCGG  
TTGACAGTAGTATGTTACCATGTTAATTGATCCTCGACTCAGAAACCAGTATTCCTGTCTTCCGCCCGGGAA  
GTTGCAAAGTTGGCAGACCGTTGCCTGAACAAAAATGCGATGAGTCGGCCAGCAATGACAGAAGTAGTTGAA  
AGTTTACAGAAAGCGCTACTAATGACGGAAGAGAAAAACAAGCTCTAGTAGCAGTAAAAATCAGTCTCATCGG  
GTCTTGTTATCTCCAAGATTTGTTGATCAAAAGCATGATATGGTTAGAAAACAAGGGAAGGTTTGATCTTTGA  
AAAAACTTCACTTTGGTTACTGACTGAGAATATTGCATTCTCAGAATGAAGTATGAAGGTTTTGACCT

>trans\_c\_4922 Novel Gene

ATCACAAATCGTCAGTAAAATCCCAAGTAAATTATCGTTCCAGATTCCAAGAATTTTACAATGGAAGGAACCAA  
GGGTGCAGGAGGAAGAAAGGGCGGCGATAGAACTAAGGTCTCCAAGTCCGTCAAAGCCGGACTCCAATTCC  
CCGTCGGTAGAATCGGTCGGTACCTTAAGAAAGGCCGATACGCTAAGCGCACTGCCGCTGGTGCCCCGATCT  
ACCTTGCTGCCGTCTCGAATATCTCGCTGCTGAGGTCTTGGAAATTGGCTGGGAATGCAGCGCGTGATAACAA  
GAAGAACAGGATAAACCCCAGGCATGTTCTTTTGGCTGTGAGGAACGATGAGGAGCTTGGTAAATTGCTTCA  
AGGAGTCACCATTGCAAGCGGTGGAGTTCTCCGAACATCAATCCGGTTCTGCTTCCCAAGAAGACAGCGTCG  
AATTCCACTCCCACTGCTGAAAAGGCTCAGAAATCACCAAGAAGGCTTAAATTAAGTATAGATTTCCGAGAA  
TGATTTAACTTTTTTCTTTTTGTATAAATTAGAATTCTCCTTGAATCCTTAGTTTCTTAGATTAACCGATGGT  
TTTGATCTCTGGTTTGCATGATGTACGTATCCATTTACAATGTCTAATGGAAATCTTATCGTTTACTGGTAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4923 M82923|Spinacia oleracea chloroplast ribosomal protein S1 (rpS1) mRNA, complete cds

GTTGTTGAAGGCCTAAGAGGATTTGTCCCTTCTCACAGATATCAACGAAATCAACTGCTGAAGAGCTTCTCAA  
CAAGGAGCTTCTCTAAAGTTTGTGGAGGTTGATGAAGAACAATCGAGGCTTGTCTTAGTAACCGTAAAGCC  
ATGGCTGACAGCCAGGCACAACCTTGAATTGGATCAGTGGTCACCGGGACGGTTCAAAGCCTTAAACCTTAT

GGTGCATTCATTGACATTGGTGGAAATCAATGGTCTTCTTCATGTTAGTCAAATCAGTCATGATCGGATATCGGA  
TATTGCAACAGTTCTTCAGCCTGGAGATACTCTCAAGGTCATGATATTGAGCCACGATCGTGAGAGAGGCCGA  
GTTAGTCTTTCTACCAAGAAGTTAGAGCCCACACCTGGGGATATGATTGCAATCCAAAGCTTGTTTTGAGAA  
GGCTGAGGAGATGGCACAACGTTCAAGGCAAAGAATAGCCCAGGCAGAGGCATTGGCACGTGCAAACATGC  
TTAAGTTTCAGCCTGAAAGTGTTTGACTTTGACTACTGATGGAATATTGGGACCAATTACTCCAAAGTTACCT  
GTAGAAGGTTTAGGTTTGAATGATGTACCTCCCCTGAAGAGTGAAGATTCAAACTTTTCATACCGCTGTATTT  
TGACAATGTTTCACTTTGTATACAAAATTCTGCCCTTGTAATTGGGTACACAACCTTCGTCCAGCA

>trans\_c\_4924 XM\_002868849|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNA binding protein, mRNA

ACACATATCATATTCTTTTACGTTTATTTTTCTGTTTTGCCAAAACATATATAGTATTAACCAAATGGCTTCAAT  
GTCTGCTCATGGGTCAACTCAATGGACTGCAATTGAAAACAAAGCCTTTGAGAAAGCTTTGGCAATTTATGAC  
AAAGACACACCTGAGAGATGGCTCAATGTTGCAAAGGCCATTGGTGAAAAACTGAAGAGGATGTCAAGAG  
GCATTATCAACTTCTTCTGAGGATGTTAACCATATTGAGAATGGTCAAATTCCTTTCCCTATCGAAACTCTAC  
GAGGTCGAGTCGCTGACTGCTTACGACACGAGAATGGGAGAAACATATGAATAGACAAAATGAGACAGCTCA  
TCAGAGTAAGGAAGAATAAAGGAAGAGGAAGAATCATTTACTCTCTATTGTACTTTGTAATGCCCCTTTAATCT  
AACTGTAAAGTATCAATATTGAAAGAATAATAATTTTTGGATTTTTCTTTTCTTGGGGTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAAAATTAAAAAACCCCCCA  
CCCCGGGGGGGGGGCCCCGCCCCCATCCCCAAAAAGAGATATTAACCCCCCCCCCGGGCCCCCT

>trans\_c\_4925 NM\_126003|Arabidopsis thaliana AKRP (ANKYRIN REPEAT PROTEIN); protein  
binding (AKRP) mRNA, complete cds

TGTATAACGTTGATATAAATCTTCAGGATAAAGATGGGTGGACGCCACTGCATCTCGTTGTTGAGGCTCGTCG  
GACAGATATAGTCAGGCTTTTATTAATTAAAGGAGCTGATAAGACACTAAAAATGCGGGAGGTTTGACCCCA  
TTGGACATTTGCCTCTATTCTGGTCAAGATACAAAACCTTATGAACTAATAAAGCTGTTGAAACAGCTTCCAAG  
ACCAAGTAAACTGCCTTCATAACAGTGATGATCACTTGAAGTAGCTTAGGCTCTGGAAGATCAACTATTGCTGT  
GTTTCGTATGCCATAGTGGTCCAAGTTCTAAATTGGGTATGCTACTGGATTAACGTCGGCTTCTTGCTAGATA  
ATTCTATAAGAGCAAATAGTACTGTGAAAGTGACATCATTGGAAACCGGGCTAGAAACATGTCTCTGCATGAG  
CGTTCCAGTCGGACTTGAGCAAATGCATCTATAACAATGTCTGATTAATGATTATGGCATGCGAAGTCCCAT  
GAGTATCTCATTCGTTTTCTTTTCATGTTGAAAGTTGTAATTCTTTCCCTTTGTTTTGTATCTGTTGTAATTAAT  
AAGATTTTGAAGTCTATACGCATATGTTTTATTGACTTAAGTTATGAACTTAATTGATGAACTCGAAGAGCATT  
AGATTTCTTATTGATGATATCCCTTCTCTCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4926 HM162888|Malus x domestica sieve element occlusion b (SEOb) mRNA, complete  
cds

ATCGAAGGACGTTCAATTCGAGATCGTACGCATAGGCAAGAACGCAAGAGGAGAAGAAGATCCAGCACTCATG  
GCTCGTTTCTGGACAACACAATGGGGTTATTTTATAATCAAGAGTCAACTGAAAGGCTCAAGTGCAAGCGAAA  
CAACAGAAGACATTTTAAGGTTAATTTCTTATGAAAACGAAAATGGTTGGGCTGTTCTTACGGTTGGTCTGCT  
CCTCTTCTGTTGGTCGTGGCTTCTTAATCCTAAGATTGCTTGAAGATTTCCCTAAATGGAAACAACTTTACGC  
CTCAAAGGATTCCCTGATGCTTTTAAAGAATACTTTAACGAATTGGCCACCAAAAATCACCAATGTGATCGAGT  
AATCTTCCCGGATTTAGTGATGGATTCCGATGATTGTGAATTGTCCTGAATGTCCTCGATTGATGAGACTG  
GTATTAGCTTCAAGTGCTGTGATGGAGGTCCTCTAATTTGATTTCTTTTCATATAATTACTTACTATATCTATA  
TATATATATATGCTATTATATATTACTACTACTAATAATAAACCATATAGTATTATTATTGCATTTATTGCTAT

ATAGCTTCAAGCTTATGTATGCGGGTCGTATTTGCTATTTTTCCCCTTTTGCTACACTTTATGTATTTGCTTCGA  
TATGAATCATCTAATGTAAGAACTACATCGAATAAAGGACGTTTAATTTATTT

>trans\_c\_4927 AF005279|Vigna unguiculata type IIIa membrane protein cp-wap13 mRNA,  
complete cds

ATGTGTGGAATGAATCTTGCATTCAACCGTGAAGTATCGGACCTGCTATGTATTTGGACTCATGGGTGATG  
GCCAGCCAATTGGAAGATACGATGACATGTGGGCCGTTGGTGTGTTAAGGTAATTTGTGACCATTTGGGAT  
GGGGAGTGAAAACAGGGCTTCCCTACATATGGCACAGCAAAGCCAGCAACCCATTCGTGAACCTCAAAAAGG  
AGTACAAAAGGGATCTTCTGGCAAGAAGAAATAATCCCGTCTTCCAGTCGGTCGTCCTCCCAAAGAATGCAC  
AACGGTTCAGAAATGCTACACCGAAGTGTGAAGCTAGTGAAGGAGAACTCGGCCCGTTGATCCTTACTTC  
CTTAAGCTGTCTGAGGCAATGGTCACTTGGATTGAAGCTTGGGATGAGCTCAACTCTGCTGGAGAGGACTCCA  
ACGTCCCTGCCAAGAAGTAGATTTTGTAAAGGAACAAGGGAAACACATTTGGATGCAATAGATTTGAGGAGTC  
TATTGCTAGTTTTCTTTTACTTTTCCCATATTTTTTCCCCTTCAGTATAATTTAAGGCTTAGAAGAATGTTGCTT  
GTTATTTATTTTGTGTATCCTTCTTCCAAACATTGAATTGAGATTTAATAACATGGGTAGCTTTTGTTAATTTT  
ATTGTGCCCTTCATTGAATAGTTTACTGAGTGCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4928 NM\_001064573|Oryza sativa Japonica Group Os06g0608300 (Os06g0608300)  
mRNA, complete cds

ATTGTCAAGGCATTTTTACCCGTTATAGAATCTTTTGGCTTTGAGACGGATTTGCGTTATCATACGCAAGGCCA  
GGCTTTTTGTCTCTCTGTGTTTGACCACTGGGCCATTGTTCTGGCGATCCCCTTGATAAGAGCATCGTTTTACG  
GCCTCTTGAGCCAGCACCAATTCAACACCTTGCTCGTGAATTCATGGTGAAGACAAGGCGTAGAAAGGAATG  
AGCGAGGATGTGAGCATAAACAAAGTTCTTCGACGAGGCAATGATGGTCGAGCTGGCTCAGCAAGCAGCTGAT  
CTTCATCAACAAATGATATAATTGAAGCTCATCAAAAAATGTTTGATCTGATTTGTTGGTGAATCCAAGTGTT  
GTACAATAGTTATTTCTTCACTTCCTCCCATATCCTGCCTTGAGTCAACAACCATCATTCTTATTATATATTAG  
AAGATAGGCAAGCAGACTCAGATTTGTAGATCTTATCTTCAGAGAATTTTCTTTGTCTGCTAATTTTAAGGGA  
TTTTGAAGCTGAATACATATTTTAGGAATTTATACTGTAATGTTTAGAGTATGTATTAACCTTGTAATGTGAAG  
CAGGAAGGCAGATTTGGTTGCATTTACATGTTTAGAATGGAAATGAAAGAATTAGAATCAACCTCCTTGAGAT  
TAGCTAATGATATATTCATGTCTTGTTGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4929 Novel Gene

GGAAGATTGTGAAAGGGTTTCTCTTAGCTGCCGCTTCTTCTGCCGCCGCCGTCGTCACCGATCACTTCGTC  
AAAATGATCATTCCAGAGAAGAATCGCAAAGAAATTTCCAAGTACCTCTTCAAGAGGGAGTTTGCTATGCCA  
AGAAGGACTACAATCTGGCCAAGCACCCGGAAATCGATGTGCCAAATTTGCAAGTGATTAAGCTGATGCAGA  
GCTTCAAATCTAAGGAGTATGTTGCGGAGACGTTTGCGTGGATGCATTACTACTGGTACCTCACAAACGATGG  
CATTGAGTTTTTGGAGACTTACCTGAATCTCCCTTCAGAAATTGTCCCGCTACCTTGAAGAAACAAGCCAAGC  
CCGCTGGTCGACCATTTGGTGGCCCATCTGGAGACCGCCACGTGGTCCTTCAAGATTTGATGGAGAAAGAA  
GATTTGGTGACCGAGATGGCTACCGTGGAGGTTCTCGTGGGCCTGGTGGTGATTTGCGTGATAAGGGTGGAG  
CCCCTGCTGATTACAGACCTTCATTGGGGGTCTGGCGGAAGGCCTGGCTTTGGCCGTGGAGCTGGTGGTTA  
TGGGGGAGCACCTGCACCGTCAAATCTTGAATGAACGAACAACATAGGTGTATGGGAGTGTTTTTGTAGTTT  
TAGTTTCTAAGCAAATTGAATCAAAGATGTTGAATTAACACTCATGAGATCTTATCAGTTTTGTTTGC

>trans\_c\_4930 NM\_100971|Arabidopsis thaliana ATFD1 (FERREDOXIN 1); 2 iron, 2 sulfur cluster  
binding / electron carrier/ iron-sulfur cluster binding (ATFD1) mRNA, complete cds

>trans\_c\_4931 AY829649|Capsicum annuum DC1.2-like mRNA, complete cds

>trans c 4932 AY107866|Zea mays PC0063875 mRNA sequence

>trans c 4933 BT025338|Arabidopsis thaliana At3g17330 mRNA, complete cds

AGAGATACCGCTCAAAAAAGGTCTGGAGATGCTTAAGTTATTCAAGAGCCATACATTAAAGACTTCTTTACTT  
GACGACTTCATTTATTATGAAAACCGTCAGAAGATCATGCAGGAAGAGAAAGCGCGGTTGGTTATTAGAAGG  
CTCGAGCGTCCCTATTTTGTACCTGCATTAGATCATACTCGACAGCTAAATTGTGTTGTTGAGCTGCCTTTGAG  
AGAGGATAAGAATCTCAACAAGGCCAATGATGGTCCAAGGTGTTGGAAAGGAATGCAGCCTCAAGAGCTG  
AACAGCAAGCCTACTCAAACCCTGGTAATGCTGGTGCTGTGGTAGTGAAGGAAAGTCCGAAACCAATGCCG  
AAGAGAAAGTTGACGTTACATCGACATTGAAGATGGAATCACTTGAAATCAGCCCGAAAGTGGTTGAAAATC  
CTTTAGGGGGTGCTACACCCGCTGCTGCTAGTGATACAAATTCAAAAACCATACTGAAGTTGTCACTGTAGG  
ATCAATGCCAATCAAAGTTAACGGATATAATACTGAAACTTCGGGTGTTTTGACCGTGGGAACGATTCCGCTC

GATCCTAAAGCCCTGCAGCTTGACAAAGAAGATGCGTTCCTCCCAATAACGGGTCTCAACACAAATGATGGAAAT  
ATAGTAAAAACAAGTATACTGGAATGTTTCCGGGCGGTCTCAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4934 DQ204496|Gossypium hirsutum alpha-expansin 2 mRNA, complete cds

ACACTACAAACCCCTTCACTAGAAAACCCCTTAAACCTTCCTTCTCCCATGGCTCCTTCACCACTCTCTTCTTTCA  
ATTTTTTCTCCTATTTTCTTCTTCAATCTCTGCTGATTACGGCCACGCCACCTTCTACGGCGGTGGTGACGCTT  
CTGGCACAATGGGTGGAGCTTGTGGGTATGGGAATTTGTACAGTCAAGGATATGGAACGAACACGGCGGCA  
CTTAGTACTGCTCTGTTCAACAATGGCCTCAGCTGTGGCTCTTGCTATGAAATCACTTGCAACAGTGATCCTAA  
ATGGTGTCTTCCAGGAAAAATCATCGTCACCGCCACTAATTTCTGTCCACCAAACCTTTGCTCTGTCCAACGACA  
ATGGCGGTGGTGCAACCCTCCTCTTCAACACTTCGATTTGGCTGAGCCTGCCTTTCTCAAATCGCTCAATAC  
CGTGCTGGAATCGTTCCTGTTTCTTCCAAAGAGTACCCTGTATGAAGAAGGGAGGAATAAGATTACCATTA  
ACGGACATTCTACTTTAACTTAGTTCTAATACCAATGTGGGCGGCGCCGAGACGTCCATTGCGGTGTCAATA  
AAAGGTTGAAAACAGGGTGGCAAGCGATGTCAAGGAATTGGGGACAGAATTGGCAGAGCAACAATTATTT  
GAACGGACAGAGCCTCTCTTCCAAGTGACGACCAGCGACTTAATCGTTAGACAGAGCTA

>trans\_c\_4935 Novel Gene

ATTCAGAGATGGCAATGAAGCAATTCTTCTCCGAAATCAAGGGCTTGAAAGTTAAGGAGCTGCCTGCCTATGT  
GAAACCGATGCTCTCCATCGATGCTGCCAAGAAGGTTGTGCAGAGAAGTCTCGACAATTACCATGCCAAGTAC  
ATTCAAAC TAGTTCAATTGATCCTCTATTTCTGTCTGCTTTGGCGGTATGATCTTTTCGTACCTCGTTGCGCTTC  
CTGAGGAACGACGCCACCTTGAACATCAGCAACACGCCAAGAACATGGTGGCCATTGATTGAGTTCTTTATA  
TTTTGAGGGTGAAGGTGCCTCAAAGGTGTTTCTGGTCAATAATTTGTTTCCGAATGTTTTGTATCTTAGTCTT  
ACTGGCAGAACTTGCAATTCTTTCTTTTATACATGGTGCCAGAGGAAATAAACGTACTTTTCAGTGATGTCT  
AATCATATCATTTATGGCAACCATTGTTGAGTCGCAGCACACGTTCTGCTGTTTATTTACTTTATTGCACAT  
TATCCTTCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCCCCC  
AAAAAGTTTATCAAACCCCCAACCTCCAGGGGGGGCCCCGGACCCCATTTCCCCCTAAAG

>trans\_c\_4936 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGTTGAAAGACCCAAATATGGCATAATAATTAACGTTGGGAGAGA  
GCTAAGCTTTAAGGTTGGTGAAAGGGTTTACAATATATCGACTTTCATTATGATTGGCTAACGTTTTTCCAAA  
TTTTGGAATAAACACATTGACAAACCTTAACATGAACGATTCCAAGTTCGAGTATCAACCTAT  
ATGATTCTGATTATCCAACAAGAATATATGAAGTTTCGAAATACACCGACTCAGATGCCAAAATTCAGATTCC  
AACTAACAAACAAAAACAATCGAGAAACCAAATCAGATTTAAATGTAATGGCGTATGGAGGCGGATGAGTGTA  
GAAGAAATAATCAGAATGAACAGAATCAGAAAAGAAGCTGTGTGAGAGCTAGAAATCTGAAGCGATTCTTC  
GAAAGCACATCACCCGTACTATGAAACCATTGGAATTTGGTTGTAGAGGGCTGGAGAAGCAGGGCAACTTA  
CAGAGAACCTGCAAGTTCTCAGAGCCACAGATTTAACTGCTCTCCCTTTTAAATGCCTCGGCCCTCTCTTGAT  
TTGAATGAAATTAACAAAAACATAAACCTAATTATGGAGAAAAGAGATGAAATATTGGAGTTCTTACCGATG  
GAGTGAAGGGAAGGTTTGGAGGCGGAACCTAGAGGATTGAATACTAAACAGTATTTATA

>trans\_c\_4937 XM\_002317445|Populus trichocarpa aminotransferase family protein (AMT7),  
mRNA

TTGGAGCTGTGAACTCTGAAATGGACACAGCTTCAACTATCTCCATTAAAGGCATTCTCAGTCTCCTTGTTTCA  
AATGCCGATGAGAACAAATGGCAGAAAGGTTGATTTCCCTTGGTATGGGTGACCCTTCTGCTTATTCTTGTTTCA  
TACAACCCGTATAGCTCAAGATGCCGTTGTTGATTGTCTGAATCTGAGAAATTTAATGGCTATGCTCCCACTG

TTGGTCTCCCCAATCTAGAAGGGCGATTGCTGAATATTTATCTCGAGATCTTCCTTATAAGTTGACATCTGAC  
GATGTTTTTATTACGTCTGGATGCACACAAGCAATTGATGTTGCTTTGGCAATGCTTGCTCGTCTGGTGCAAA  
TATACTGCTTCCAAGGCTGGTTTCCAATCTATGAACCTTTGTTCTTCATTTCAGAATCTAGAAGTCCGGCACTT  
TAATCTACTCCCTCAGCAAGGCTGGGAGGTTGATCTTCATGCCATTGAGACCCTTGCCGATAAGAACACCGTT  
GCATTGGTTATTATCAACCCAGGGAATCCATGTGGAAATGTGTACAGCTATCAGCATCTCAAGAAGATTGCTG  
AAACTGCGGAAAAGCTTGGAATTCTTGTAAATTGCTGATGAGGTTTACGGGCATCTTGCTTTTGAAGTCGACC  
TTTCGTACCGATGGGAGTCTTTGGATCAACTGTTCTCTCACCTTGGATCTCTT

>trans\_c\_4938 AY104512|Zea mays PCO140322 mRNA sequence

AATCTATTAGAAACAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAATAGGGACAACCGCAGCAATCTCCCAATTCCTCT  
CCCCGCTTCTGTTGTTTGAACCCCTACATTCTTCCTTCTCTCCAATCATGAAGCTTGTTAGGCTTTTGATGAA  
GCTCAACAATGAGACTGTCTCAATCGAGCTCAAAAATGGAAGTGTGTCCATGGAATATCACAGGTGTGAT  
ATCAGCATGAATACGCATTTGAAGGCTGTGAAGCTTACTCTAAAGGGAAAAAATCCAGTCACCATGGATCATT  
TAAGTGTGAGAGGTAACAACATCACAGATTACATCCTACCTGACAGCTTGAATCTTGAAACTTTACTTGTTGAA  
GAGACACCCAGGGTCAAGCCCAAGAAACCAACTGCAGGAAGGCCTTTGGGACGTGGACGAGGGCGCGGGC  
GTGGGCGTGGTCGTGGACGTGGACGCTAGATTTGATGCAGTTTCAATTTTGAAGACCTGTAGTGTAACACTT  
GCATTGTAGGGAAAGATTATGAATTTTGGGACACGAAAAAGTGGTATTGCAATTCAGTGTTCATCTCGTATG  
TAGTTTATTACAATGCTATTCGGTTGTTTTTCATATGATAGATGTAGCCTTGCTATGTTTCTGGTGCTTGGGAT  
CTGTTAATGGTTTGCTCTAATATCATCACAATGATAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4939 NM\_118308|Arabidopsis thaliana 26.5 kDa class P-related heat shock protein  
(HSP26.5-P) (AT4G21870) mRNA, complete cds

CTATCCATATTCTCACTAATCGATCAACCACCCCGCCAACATCCTTCGCATCAACAATGGAGATTTCAATCTCT  
GATCCTCGTCCTCTTCTCTTCTTCTTACTACCGTTACACCATTCTCATAATTACGTTCACTGGGTTCAAACCTCCG  
ACTCTCATCTTTTCTCCGCCGATCTCCCTGGTGTTGCGGAAGGAGGAGATAAAAGTGGAAAGTTGAAGATTGCGG  
GTACCTGATCATTGGAACAGAGGCTGTGGATGGAGTTACGTCTCCGGCGAAGAGTTTCTCCAGGAAATTCGG  
CTTCCGTTATGGTTGATGTAGATGGAATTCGGCTGGGTTTGAGAATGGAGTTTGGAGATTACGGTACCCA  
GGTCGTCTTTTAGGAGAAGAGCTGTTGCTCATTCTCCTGATCAACTTCAACTTCTTGCTCGGGCTGCTTGATCG  
ATCAATTAGAATTGAGTTTGCTGCCCTCTGCTGCTTTCTATTATTGTCCACTTTTCTTCTTTTGGTTGGTTGGA  
AAATTTAATGGATTAATTGTTGCTGGAAATGGAGAAATTTGAAGCTCTGTATTGATAATTTGTGATGAATAGG  
AAGAATTTATGTATCAACAAATTAATTTGTTGGGTTTACAAGTAGAAGTAAGTGTAGGATTGGATTGATCTCA  
ATCAATGAAAAGTGTCTCTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4940 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
3-5

AAACTATTCTTTTTTATTACGTTGTGAGGCTTTGGTTACCGGCTCAGGCTTCCAAAGGCGACCCTCTCTCGTTT  
CCGGCGGTTTCCGTCATTGAAGTAGCCTTTCTTCGTCATCCTACCAAAGTACGTTGGAAGAAGCGAGCCCTTA  
TAGTTTAGTAAAGTCAAGCTCCAAAAAAGGAGAGATTAACCTGCGGTGCGCTACGCCCCGCAACTCATCAAG  
CAATTTCTTTCGCTTGAATTTAGTGATGAGGTTGCAAAGAGAGGGAAGTAGGGCTCCTATTGACTAAAGGT  
GGATTCTTCGCTTTCTTTATCAAGTCGCTATTAGCCCCCTACTACTGACTTTTGACTTTGTCTTTGATTTTTGATT  
CATCTAATTCAAACCAACTAGTCGTATGAGGTGATCTTCTGTCTGCTTTGGATATGAGGAATGAAAAGGCAA  
AGTCCGGCTCATTGTAGTTTGTATTTGGTCTGAGATATAGGATCTAGGAAAGCGTCCTCTTTTGTATCCCTG  
CAGCTTTCAGATTGAGTATTGAAGGCATGGCCTAGGACCTTCAAGTTTTCGCCTATTGGGAATACACCCCTCT



TTTTTTTTCTAAGGCTAGAAAGAGAATGCCCCGCAAGTTCAGATAAGGAAATGCTTCCCCCAACCATTAAAGG  
AAAGGCTCGACGAGGAAGGAAAAGGCTTTCGGAGATCGAGATTGGATTTCCTTTGA

>trans\_c\_4941 NM\_001056140|Oryza sativa Japonica Group Os03g0257900 (Os03g0257900)  
mRNA, complete cds

AAGTAAATAAATAAATAAAATAATAGTGAAGTGGGGAATCGGAATCGAGACTCCGGAGTTGGCTTCGAACGT  
CCTACTTCCGACGAAATCAAGGGGATTTGACTGCTAATTCATGGGTACATTCAGGAAGCTCGAGAAAATCAT  
GTGAAGAAGAAAGTAGAGGAAGCTTTACGCAGCAAAATGAAGCAGAAAGCGTTGAAGGAGTGCGATCATT  
CGCTTCGAAATATGCTGAATGCGCTTATGGCAGAACGTTATCTGTCAATTTCAAGTGTCGAATCAAGCTAAAG  
AATTGAACAATTGTCTTCACTTATACACTAACGACTCCGTGTTGGACGAGATGAAGCGGGAATATGCACTTCA  
ACATGATGGGAAGCCTTGAGAAAGAGTATAACATTACCCAATGAGAACTGAAGATTAATGTTATGTATCAGTC  
TCAGGCGCACTATCAGATGATTGTCACTGAAGTATTGATATTAGTAAGACTTGGACGAAAGTTGAGGCTTTTT  
CATTTTGTGATCTGAACAAGCAAAGAAATTCTGGTTTTTGGCATAAGAATGATCTTTGATCTCTTCATGTATAA  
AATTCAATGCTATTCTTCTACGTTNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4942 AF428345|Arabidopsis thaliana AT3g54190/F24B22\_150 mRNA, complete cds

TAATTCTTTTTCCCCCTTCTTCTTCTTCAATTTCTGCTCATTCTTATCTCTTCTTAGAACAAATGCTTGTTGTTCAATC  
CCATCTGACTTCACTTGGACTCCACTGACACTCTCCAATCCCGGCGCCGGCGGCCTCACTCGCCGCTTACGG  
GAACCAACCAACCCCGCTTCATCCTCCCTTTTCTTTGCTTCCCGGTAAGCTTTTTTCTGCTCTAGGGTTTCTAAA  
TTTCACAATTTCCACCTCTTCTATTCTTCTCAATCGCTCGCGTATTCAAATTTTCTTCCAATTGAGTTCCTC  
CTGGGGTTTAAACCTTCTGCTTTCCCAATTTCTTTCGGCAATTGGGAGTTTCTTCAAGGGTTATGTGAAATTC  
GTTCTGCTTGAACAAACAGAAGTAGGAGAGCTTCTGTTTGTGGGGGAAAGTATTGCTCATGTAAGGGA  
GGAGGGTTTCTGCTAGTCTCGGCCTTGTCTGGTCGGCATATTTTGGCTAAGAAACGACCTCGGGTGGATGG  
GTTTGTTAATAGTGTTAAGAACCTGCACAGACGGGAGATATGTTTGAAGCGTGATCGTGCTTTTAGTATGAGT  
AATGCTCAAGAGAGATTTTCGAACATGCGTTTGATGGACGAATATGATACTCATGATCCAAAGGCGCATTGTT  
CACCCGTTTACCTTTTCTGATGAAAAGGACAAAAGTAATTGAAATTGT

>trans\_c\_4943 XM\_002871296|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transmembrane CLPTM1 family  
protein, mRNA

GATTAATAGTAACATTAGGTTTCCAATAGGAAACCACTCCACAGGGCCATCATCTTTCACATCAACTTGGTTA  
TCACCAACAACCTCTTTCAGAATTTACCAGTATCAGAACCTTCAGAATTACCAATAAACTACTCTTTTACCA  
GCTTTTGACTTGGGCAAATACACCACAACAGGATGTGTCCTTCCAATGTAGCAAGAGGCTGAAACTCAGGGT  
CATTGGGGTCTGGAGTGTATCCTGACCGTGCAAAGAAGACATGTGCATACAAAGATCCATTTTGTTCAAAGC  
CTCAGATGGATAATACTTTACTGAAAGAGATCTGGTACTTTCTGGTCCCCATACAGCATAGGGTATACCATTCT  
CATGCCAGACAAGCGCACCTTCATTTCCAAAGTCATCAAACCTTTCATGCTCAGAAAGATATAGCCACATGTCC  
AACGGTTCGCCCTTCTGAAAGAGATTGGACATGAGAATAGCAGGATCAGAGGGCTTCTTGGGGGCGAAGAAT  
TTAGAAGCGAAATACCAGAAGACGGCGATCCTAATGATTCCAGTAAGAGACTGTCCGAAACCTCCCTGTTGCT  
GTTGTCTTGGTCTTGGAGCTGCTGCTACTCTCTCCGCCGCCGGGACCTCCCTGTACCGCGGGCGTAGCCATT  
TTCTTCTCCCTCTGTGCAAATCGAAGAGATAGGCGCAGAGAGAGAACTCGGTGAGAGA

>trans\_c\_4944 BT029333|Arabidopsis thaliana At4g10300 mRNA, complete cds

AGGAGAACCCCAAAAAATAAGGGAAATCAAAAAGTGGGATCTTGGGAATTGGGATGGCTCCGCTGTGGAC  
GGCTTCTTATGTCTAAATTTAAAGCCACGATCTCTCTCACCAAACCTACAAACGTTTCTTTGTACTTTGGGAAA

AGGGCACAGTCTCTTCAAATTCGAGCAGATTCCATGGCTACTGAGAGGCTGGGAATCAAAGTTGAGAAGAAT  
CCATCTGAATCTAAGCTTTCTGAACTCGGCGTTCGTCAATGGCCCAAGTGGGGTTGTGGACCAAGCAAATTCC  
CATGGACATATTAGACAAAGAGACATGCTATCTGCTAGAAGGAAAGGTAAAAGTTACTCCTGCTGGATCAG  
ATGAATCTGTTGAGATTGGCGCTGGGGATTTGGTTGTGTTTCCAAAAGGAATGAGCTGCACTTGGGATGTCTC  
TGTTGCTGTGGATAAGCACTATAACTTTGGTTAGTTCTACAATAGAATAAGAACTTGGTGTGTATTAATACTACTAA  
TGCCTCTTTGAATGTTGATGAACTCTTCTCCATGACTGCTTTTCTGTTGAACCTGATTTGTAGGTTCTATTATT  
GAATTGCTTCTGTAAACAACTGAGCTCATATGAAACCAATATCACATTTGAGATTGCTGGTTGTTGAGATTTTG  
ATGCTACTAATTAGAATCTAAGTCTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4945 GU980966|Lotus japonicus CIP73 protein (CIP73) mRNA, complete cds

GAAATTGACCAACAAAGATCTGGAGAACGGGTGATTGCAGCTGGGATGATAGATTTGAACCAGCATCAATCT  
GACAATGGGTCCAGGCCACTATCTGATAGTTTCATGGCACTTCTGGACATCCATCAATTCCTTCTTTAGGATC  
GTTCCCTCCTCCTGTGATTCTGATTCTTTGACAACCTTGTCTCAAAACCTCAGTAGTATGAGGCGTGATTTTGA  
AAATATTGGCAGAGTTGGAGGAAATAATGCCAAGAAGCTAATATTCATGGAGATGAGGAGAGCAGCTCTAA  
TTCCTCATCTCGTCCAAGCACCAACCAAGAAAGTTTCCCAACTCCTGCATCGTTGGCTGAAGTCATGCTTTCTAC  
CAGACAAATGCTTACAGCGGAAGTCTCAGAGTGCCTACTTCAACTTGCAAGGCAACTGGAGAATCACAGAAAT  
GTTACTGATCCTACATTAAGGATGAATACTCAGTCTTCTGCATGGAGAAGTGGAGTTCTATTCAATAACCTAGG  
TGCATATCTCCTAGAACTTGGTCGCACTATGATGACATTGCGAATGGGTCAAAATCCTTCAAAAGCTGTTGTTA  
ATGCAGGACCAGCAGTTTTTCATTTCCCAAAGTGGTCCAAATCCTATAATGGTTCAGCCTCTTCCCTTCCAACAAA  
ATGTAAGCTTAGGCCAGTTCCCATGGGTGCCATGCAGCCTGGTTCTGCACTAATTC

>trans\_c\_4946 BT026001|Arabidopsis thaliana At4g16695 mRNA, complete cds

AAGAATGGAGAAGTGAAATAAAACGGTTGCGGTTCTTCTTCTCCCTTCACCAAATCCACGGCTTCAACCTTA  
TTCGATCCTCTCGATCTCTAAACAAAATGCCTTTCAGCACGTTTATTGAAGTGGAACCGCCAGTCCACTCCGA  
TACATAATTGGGGCTGTTATAATGATGATCGGAGTCGATTGCCTCTTGGATACATGCTGTTCCGGAATAAGC  
GTGGACCTTCTTCTTCTTCTTCTTACTCCAAACAGACGTAGGTGTGCCTATGAAATTTACTTGTCTTATTAGATT  
ATTAGCTCTGTCTAATCTAATCATTTCTGTGATCTGTTTATGATTGCAAAATCATGGTCAATATGAAGTCCGATT  
TGTCTTCAATTGTTCAATTTACTTGATTTATGGGCTTTCGTAGCTCGGTTTTATTTCTTCTAGCGTTAGTTATTAG  
TATTCAGCTGTCTGAATTCACCTTGTAAATTCCTAAATGAAGTTTTTGTGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTTAAAAACCCCCCACC  
CCAGGGGGGGGGCCCGGGCCCCCATCCCCCAAAGGGGGGTGAAATACCCCCCCCCC

>trans\_c\_4947 EU236700|Pisum sativum developmentally regulated GTP binding protein 1 (DRG1)  
mRNA, complete cds

ACAGAATCCATAATGCTGATATCACTCTTAAATACGATGCAACTGCTGATGATCTCATAGATGTAATTGAGGGT  
AGTAGAATATACATGCCTTGTATCTATGCTGTTAACAAAATCGATCAGATCACTCTCGAAGAGCTGGAGATTCT  
GGACAGACTTCCTCACTACTGCCAGTCAGTGCTCATCTTGAATGGAACCTTGACGGTTTACTAGACAAGGTTT  
GGGAGTATCTTGACTTAACTCGCATCTACACAAAGCCCAAAGGAATGAATCCAGATTATGAAGATCCCGTAAT  
TCTATCATCTAAAAGAAGAACC GTT GAGGATTTTTGCAGCCGTATCCACAAAGATATGCTGAAGCAATTTAAG  
TATGCCTTGGTTTGGGGATCAAGCGTCAAGCACAGCCTCAACGAGTGGGAAAGGAACACGAGCTTGAAGAT  
GAAGATGTTGTTGAGATCATTAATAAAGGTGTGATCTTTGAATCATTTATAGCTTTTCCAATTATCGGAAACCC  
TTAGGTGCGAATACCTTCACAATCTTGAGTTTAGCTTTCAGTGACGACACGACACATCCAAAGCTTTTTGTTAG

GCTACAGTGTTCATTTGGTGCTACTACAATCAGTCAGAGCTTTGAACAATACGTAGTAGGAATTGAGCTTGAT  
ATGTAATTGTGCCATTTTATAGTCAAGCCGAGAACGGTCATTTTCTTGTTTTCTTTAC

>trans\_c\_4948 Novel Gene

ATACTCTCTTTCCTCTTCTCATCTTCATGGCACATTCTCCAAACACCAAAACATCAATGGCAACACCGACAACAA  
CAACAATGGTAGAGGGGAGCCATTATTGTCGTAATTTCCACTATAAGAGCAAGTCATTGCAAGGCTGCTTCTCT  
GAATCCTAACTTAGGCAATGAACTGCCACAACGGCTACATCATCGACACGGTGCAAACTCACCACAAGGAA  
TGCCTCATTGGAGTCGAAGATGAAGACATTGAAAACCTACCATTTCCTAAGCTTATATAGACCAATTAGAGCCG  
GTATTCGAACTGGAAATCCGAAACAGTCGGTATGTGATCGGGACTTCGTGGAAAGATATGGCGACATCAGGT  
GTCTCGGCACGCGTCGTCCCAACCGAAAGAAAAAATGTGGCCTATATAAGCGCAGCTGTTAATCACCAACACC  
AAGTAATTAGAAGGTGTCCACAAAAACGTCGTGGTTTTACCTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTT  
TCTTTTTATTTTTATTTTTATTTTTAGATTTGTTGTGAAGTTATTTATATGTTATTTACTACCTACATTACTT  
TATCTCGCTTGATTTATCTAATCGCTGTGCTTGCCTAAGCTTAGCTTCTTCTTTCACCTTCACATGGAAATTCA  
CTGTTTATTTGTGCTGCGAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4949 NM\_148402|Arabidopsis thaliana nucleic acid binding / nucleotide binding  
(AT4G35785) mRNA, complete cds

ACGACGGCGAGATTTGACTGCTTAGGCTCATAGGGAGGTCGTCTCCAGAAACCCTAAAACTCATTTCTTTAT  
CCGTACTCTTCTCAGCTTTTGCTGGCCGCCGTTTTTATTTGATCTCATTGTGAAGAAATGGCCGATGTTTCATC  
GCAAAAGGTACTCTCGATCTCCTTCCCCCTGGCGAGCTCCTCAAGATCAAGATCCAGATCTAGATCACGATCG  
AGGCCCAGGTCCAGGTCCAGATCATGGTCAAGGCCAAGATCCCCAAGTCGTGGAAGATCAAGGTCCAGAAGT  
CGTGGGAGGGACCATGCCAACCAATCCTGGGAATACTCTTATGTCACTGGTCTATCTACAAGAGTCACTGAAA  
GAGACCTTGAAGATCATTTTTCCAAGGAAGGCAAGGTAGCTTCTGTTTTCTGTGGTTGAGCCTCGAACACG  
GATTTCTCGTGGTTTTGCATTTGTTACTATGGACAATGTAGATGATGCTAATCGGTGTGTTAAGCATCTCAACC  
AGTCAGTTCTAGAAGGTCGATATATAACTGTGGAGAAGTCGCGGCGGAAACGGCTAAGAACTCCAACACCAG  
GACACTATTTGGGGTTGAAAAGCACTAGAGACTCTGGCTATCGTGGCGATCGAGGTAGTAGATATCGTGGTG  
GTGGCTCCTTCCGTGAAGACTATGGGTATCGTCGGTCTCCAAGACGCTCACCATATCGAGG

>trans\_c\_4950 NM\_124967|Arabidopsis thaliana NOI (NOI) mRNA, complete cds

TTCTTTCTTCTCTCTTTCAATCTGCCAGTCTTACCCATTTTCTCTCTTTTCATTGATTTGAAATTCCAATTTTTT  
CCTCCGAAACGTTCTCTCTCTAGAATTCATGACGGACAAAGGTCGGCCATTGCCAAAATTTGGTGAGTGGGAT  
GTTAATGATCCGACATCAGCTGAGGGTTTCACCGTGATTTTTAACAAAGCTAGAGATGAGAAGAAAACAGGC  
GGCAAACCTGATTCACCTGGAAAAGTTGATGCACATGGCAGGACTGCACCAGATCCTGCCAAGGCACCTCCTA  
AGAAATGGCTTTGCTGTATCCAAAGTCCCACTGCTGAATCTTAAGAAGGTTTCGTTTAGAAGCCACAGTTGAAA  
AACTTCATATTATTCTGTAATTGTGTCTGCTGTTGGCTTCTCAAATTCAGTGCATTTTCATGGAGCCTTGATGG  
TCCTGCTAAATTTATGCAATTCATGTAAATCTGAGTGTTGTCTTGTTGTTGTGGAGGAAAAAAAAAAAAAAG  
TAAAGAAGAACATGTATTGTATTATATTATTGATATGGTGGTTTTTTTATTAGGGGATAAAGTTGCTATTCTGT  
CTTTGCCTTTGGTGTGTGAGCTGTAAAGCTTTCAGTGGACATCGTGATAATTGTGGCTGGTATAATTAATGT  
AATACAACCTTTTGCTTTTCTTCCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4951 EU280163|Vitis vinifera metallothionein (MT) mRNA, complete cds

ACTCGTTCAATCGCTATAAGTTATACTCTGATTACCAAACAACTTTCAATTCTTTTGTCTTCGTTATTCATTG  
TCGAAAATGTCTTGCTGTGGTGGAAGCTGTGGATGCGGCTCTGCCTGCGGACATAAGTATGGCTGTGGAGGA  
TGCAAGAGTTTCCCTGACTTGAGCTTCTCAGAGACCACTGCTACGATCGAGACTTTCGTAGTCGGTTTCGCACC

TCAGAAGATGTCCTACGAGGTAGCAGAGATGGGAGCCGAGAACTTCTGCAAGTGCGGTGACAACTGCACCTG  
CGATCCATGCACCTGTAAATGAGCAGCAGCAGCAGCAAAAACAGCTCGAATCTTCTTAAGTGGAGATTGTGTT  
CGAGTACTAATAGTATGCATCCTTCTTAATAACAATTATAAAACCTCCAAGCGTTTTCGTTCTCTGTTGTGTTGC  
GTCTTTTAAAGTGTGATTGTAGCGTTCCGTTGAATAATAGCAGTCATGGAGTTGTGGAAAACTTTATATGCT  
GTTATAAGGTTCAAGTCGGTGATGTTTTAGCTCTTAATCCCGTGTTTCATCCATGTCTGTTTAGTATTTGCTTCG  
CTCTCTGTAAGAAATTTAAGAAATAGTATGTGCTAATTTATGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4952 NM\_117932|Arabidopsis thaliana purine permease family protein (AT4G18220)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAATGGAGGGGAAAAAATAAATCTTCAATTTATTTTACAACAAAAGCATAAAT  
AATGATCATAAGTTAGACTACCCTGATCTACCCCATAGAAATTCATTACAACACAAACAAATCAATCACAAACC  
AAATATCATTTCTAGTTTTAAAAGAAAAAAAAGACCCAAAAGGATTAGAATGTAATTTTCATTTCTAACACCCG  
ATAAATACAACACTACAATAATTTCTTTATAGTCCAACACTACATGGAAGTGGAGAATACGAGTCATCATTGAT  
CTTGAAGTTGGCATTGTTTTGATTGTCCTTACCTATTCAACCGGGAACATAAAGAAGGTGGAGCAATGTACGTT  
GTTATGATTCATATATATATCATGGTCGAACATGAACAATCTCCGTTGAAACCTCGTTTCGAGTTATCTCGATTTT  
CGACCTTAGAAGAGTCCTTGAAATCATCGAGATAATTTTGATAACCATAGGAAACAAAACCCACACAGCCAA  
AATCATGGCCACAATTTTGATTCCATTCATTTTGTGATGAAAGAAAATGACTGCAAAAACAGGCACAATAGGC  
AAACCAAGACACTAATGGCATTGGAAAAGAGAGAAGAGACATCGAAGATGAGACCCACACAACCAATGGT  
GAAAAGTTGCCAACTATTGCAGTCCAAAGTAAATCATTATGTATGAACTTTGC

>trans\_c\_4953 XM\_002887492|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata galactosyl transferase  
GMA12/MNN10 family protein, mRNA

ATTTATTGCTTTCTCAGAAAGATCAATGGATGGATAAGGTGTTTCTTGAGAATTCATACTATTTGCATGGTTAC  
TGGGCTGGTTTAGTCGATAGGTATGAAGAAATGATTGAGAAGTATCACCTGGATTGGGCGACGAAAGATGG  
CCGTTTCGTGACACATTTTGTGTTGCAACCTTGTGGTAGCTATGGAGACTACCCAGTATAAAGGTGTTTGA  
GTAGCATGGAGAGAGCTTTCAATTTTGCTGACAATCAAGTTCTCAAGCTGTATGGATTCGCCATAGGGGCTT  
TTTGAGCCCCAAAATCAAGCGGATCAGGAATGAGACAAGTACTCCATTGGAGTCGGTTGATCAAAACAATATT  
CGGCGGCAAGTTCTGCATGGAAGCAATGCTCCTCCAACCAAGTGAGCAAATCACTTCCTTGTGTGATTTACCTT  
TAAGTGATGGTGTTATACATCAATTCTTAGCAGATGAAGGCTGGTAACAGTTCCTACCCAAGTTCGTCTTTCTT  
CCCTTGTCGTTTTGATACTGCTTTGAGGAGAGGATAGAGTATAATTCTTTCATTAACCTAAAAAGACTGTTTCAT  
TAATGAGTATAGATACTTTATTTCCCCCTCTTCAATGTTCTTTTTTAGTTTTGATCTTTTTTTGAGGCAGTAAAC  
ATTACTATTCTTGCTATGTATTTAAATCAATCATATTGGTATTTAAATATTATG

>trans\_c\_4954 XM\_002863756|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

GGTTTAGCTTACGATGTTTTTGAAGCCCTCGTCCAAATGAGTATTTTACAGATTTTGCTCTTGTTGTACTCTGA  
GACGACCTAGGGTTTTGCTTTCTTGGGAGAAAGAAGAAGATGATCGAGGTGGTGCTGAATGATCGGTTGGGG  
AAGAAGGTCAGAGTGAAATGCAACGAAGATGACACCATAGGTGACTTGAAGAAGCTTGTGGCTGCCAGACT  
GGGACTAGAGCTGAGAAGATTCGGATTCAAAAATGGTACAATATTTACAAGGATCATATTACTCTCAAGGATT  
ATGAAATCCACGACGGCATGGGCCTCGAACTCTACTACAATTAGTTAATGCAGGCATGGAAAGCCATGCGAT  
GTGCTCTGCTACCACTCTCTGAGCTCAATGTTGTCGTGTGGCGTTGCCTGTGTAATTTGTGTAACATAAGACGC  
ATATATTGATGACTGTTTCAGAATAAACTCAATTGGGGATTTCAATGTAATACATATACAATCAAACCTGCTTG  
TTCGGTGATATTATATTATGTTGTAACCTCATTTAACCTTATGCTGTAACCTGATTGTTTAGTTTATGTGTTTTCAA

TGAATTTGAATTTAAGCAGTTGATTTCAAATTCAAAATTTTAAAACTATGTGGTACCTACATAAACTGTAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4955 NM\_124670|Arabidopsis thaliana PKP-BETA1 (PLASTIDIC PYRUVATE KINASE BETA  
SUBUNIT 1); pyruvate kinase (PKP-BETA1) mRNA, complete cds

TATTCTCTAACTAAATCTATAACTTTCTGATGAGATGCATGGTCTCCATGGGACATATTCAATCTTGCAACATTC  
ATTCCAGCTTCAGCCAGTTTCCAAATCATATCCTTCGTATTAGTTGAAGGTCCAATCGTGCACACAATCTTTGTC  
TTACGTCTAACTGTAGGCTTTGACCACATACCAACAGGTGTATCCCCAAGCTGTTGAACAGCTCGTAAATGTTT  
AAATTGCTCATCTGCCTTCTGAACATCCTCAGGTGAAACCGGAACAACCTTCAGCTTGAGCAGCTCTCTTAGATG  
TGATTAAACTTCTCCTGTAAGAAAGATTCCAACCTTTTTTCTCATGCGCCAGCACTTTAGAGCCAGTACCAAAA  
GAGCGAGCTCTGTGAGTCGTCTTGCACAGATCCCGAGCTAGGGCACAGGAATGTGCTGTGAATCGACCTG  
GTAGCCACCACCTGTGACATTGTACGAACAGAAGCAAAAAAGGAAAACAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGA  
GAGAAAGACTAAGGGAGAAGAGTAGGGAGGAGGGATTAAAGAGAGAAGAAAATGAATGGGAGGAATGGT  
TGATGATGATGAATCGAACGTAGAAAATTTGCCAGAATCGTAAGGCGGAATTACCAATGGCAATGCGATGT  
GAGAATGAGAGAAAGCTTCGGTTGTATCGAAGAAATGGGGGAAGCTGGTAACGCTGTTGGGCTT

>trans\_c\_4956 XM\_002875142|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal peptide peptidase family  
protein, mRNA

CGTCCGTTCTTCTCTCCGTTCTGAGTTAAACCCTAAATCTGAAAATTTTGTAAGAAAAAATAAAATAATTC  
CTTCTCTTCTTCGCGAGCTCTCCGATCTGCGTGGTCAAATCCACTCGAAGTCTTCGAGCCGCCGATGATTGA  
GGGAGCAATCGCGAGACAATTATCTTAGTTATTTTTCGGATTGATAGTGCTGGTTGAAAGGTGTTTAATTAAG  
AACTGCCCAACATGAAGAACGCCGAGCGCATTGCGAATTTTGCTCTAGCGGGATTGACTCTAGCTCCACTTGT  
TATGAAGGTTGATCCTAATGTGAACGTTGTTCTGACTGCTTGTCTAACTGTCTATGTGGGCTGTTATCGGTCTG  
TGAAACCCACTCCACCTTCCGAGACAATGTCCAGTGAACACGCCATGCGTTTTCCCTTTGTTGGGAGTGCAATG  
CTTTTATCTCTTTTCTTGCTTTTCAAGTTTCTATCGAAGGACTTGGTTAATGCAGTCTTGACATGCTACTTTTTTG  
TGCTTGGGATCCTTGCTCTTTCAGCGACTCTGTTGCCTGCTATTAAGCGATATCTGCCAGACCATTGGAATGAA  
GATGCTATTGTGTGGCGTTTTCCATATTTCCGGGCTTTGGAGATCGAGTTCACCAGGTCCCAGGTTGTTGCAGC  
AATTCCTGGAACCTTCTTTTGTGCATGGTATGCTCTGAAGAGACACTGGCTG

>trans\_c\_4957 DQ226598|Boechera divaricarpa isolate SLW-3-C12 mRNA sequence

ATCGCTAAACACTTCCTCTGTTTCCGTTTCAGAGATTTCTTCTTCATTTTCGCCTTTTCGAGGAGGGAAAGGAAAGA  
GAGATTCCTTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTGCGATCCTCTTCAACCCATTGAAGCCCACACCCATCGCAAA  
GAGAGATCCTCCACACCACCATTCCTCACTCCAATGGCGGTTTCTAGGACGTCTTTTGAACCTTTGACTGCCACT  
GCCCTCATCTTTGCCATCTTCTGCCCCGTTGCTCACCTCTTTCTTGGCTCCCGCACCAGCTCCCACCAGCGAT  
GGGACATCCATAGATCAAGGAATAGCTTATGTATTGATGATGGTGGCATTGGCACTCACATATCTCATCCACA  
ATGCTGACTTATCAACAACCTCTAAAAGATTTTATCAAAGCATTGGACAACATCTTTGATCAAAGGGAGGG  
AAAGGATTTTAGTTAGAAATGAATGCAAGTGGGGATTTGAGGGAATTTGATTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTGACATTGTAATTCCTTTGGAACCCTCTTTGATCAAAGGAGAAGGGAATTTAGTTAGAAATGCAAATGG  
GTTTTGAGGGATTTTATTACTATTTTTTTTTTTTTTTTGTAAATTTTCATAAAAATTCATTTGGGTGTTTCTGTTT  
TTGGTCTTTATTTCTAATGATGAGTCTGATTGTGTGGTCTCTTTGTAT

>trans\_c\_4958 FJ797606|Vigna radiata chloroplast photosystem II subunit X (MLT55) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

>trans\_c\_4959 BT025565|Arabidopsis thaliana At2g31090 mRNA, complete cds

>trans\_c\_4960 NM\_001071385|Oryza sativa Japonica Group Os10g0476600 (Os10g0476600)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_4961 AY775031|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 20 (ACRE20) mRNA, partial cds

AAGCTTTAAATACAGACTTCACACTTCCTGGAGTTGCCTCATTCAATGCTGAAACTCTGGGGAGGTCTATGTGC  
TTGTAAAGAGACCAATCAGAAGAACAATCATGATCTTCGCAGCTGTGATCGTGAAGCAAGCCATCTCCTCGT  
GCCGAATTCGGCACGAGGCTTTACTCTTTCCTAATTCCATGACTTCCAACAACCACATCCCCCAATCGGAATCT  
GGATTCCAAGATTGGCTGCCGGTGATGGCCGGAAAACTTGGGGGCGAGGGGCTGATCGGAGAGCTGTGTAA  
TGGGTTCAATCTCCTGATGGATAGAGAGAAGGGAGTGATCAATTTTCGAGAGCTTGAAGAGGAATGCGGCGG  
CTTAGGACTTGGGGATTTGAGTGATGATGAACTCAGAGGAATGTTGAGGGAAGGGGACTTAAATGGCGAT

GGCGCTCTTAATCAGATGGAATTTTGTGTTCTTATGTTTAGATTAAGTCCTGAATTGATGGAAGCTTCTCGTTAT  
TGCTTCCATGAAAGTCTTCGTCGAGAATTTAGGGATTCTTTTCTTGATTGTGATTTTCTTGTTGATGGAATT  
AATGAAATATACTGCCAAATTCATAAACAAATTTGAGTCTCTGTTTCTCCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4962 AF265664|*Solanum tuberosum* resistance gene cluster, complete sequence

CTGCAATAACAACCCAATAACTCTCTTCTTGTAACCCCAACCATCCATATTATTTATAGTCCTGACAACTTTTCT  
TTCTAATTCCATTTTTTCATCAAAAAGAAAAATGAGAATTAGAAACAACCCATCGTTATTGTTAATTGGTTTGT  
TTTGTTATTGCTTTTGAGCTGCTCTTGCTTGACTTCAGCTGATGCAAAGCAATTCAGGCCATGGAAGAAGCTC  
AGAAAAATAAATTGAATGAAGATGGGAAGCCTTATGTTATTGCTCGTCATTATCCAGAAGACGGTGGTTCAAA  
GAACCATCACTTTATCCCAAGAGAAGCTTTCAACAACCTATGGTGGGAGTGATAATGGTGGTGGCTAACACGC  
GTTTGGATTGCTTTCTAGGCGTTTATATAAGTGTTTATAATGCAAAAAAATGTCAATCCTTATAAACACTTAG  
AAAGATTGTCTAAACAAAACCTGAAAATTCACCTCTCCAGTTTTTTTTCTTTCTTTTTTAAGGTTAGCAATCAAT  
CTAGGGGAGTAATTTGAAGTCTAACCTTTTAACCTCTGTCTAAGTCGGTGAAGTACTATGAATTGCATTG  
TGTGTACTTAGAGTATTGTTTGTGTTGCAACAACATCTTAGGCAAAGAAACAGTTTATCAAATATATGATAAAG  
GTTTGAAATTTGCATGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4963 XM\_002881984|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* eukaryotic initiation factor 3  
gamma subunit family protein, mRNA

AGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACATATATGGGTAAATAGAGACTGAGGAGATAAGTTATAACACC  
GTGTTCTGTAAATATGGTGGCCTTCTTGATACACGATGAATCTTTTTCTCTCGTGTGGCTAGGTAAAGAAGG  
CAAAGTGTGGGGAATAAAGACGCAAAATGAAGGTAGTTAAAAAAAAAAAAAGAGAGAGAGCAACAACCTCTA  
AGAAGTTTAAAAATACTCAAAACATTTTCTTTAACGGCAACTAAAGGGATCCATTTATTGTTTTGTGGGATG  
TTGCCTTTGTTACATAAATTTATTTCTTTTTGTCTCCTTGATGATGGGCATGTACTTCTAACCATGGAGAATCTT  
GATTTTCGATATTCTCGGAGGCAAAGAACCTCAAGCCGTAGGGAACAAGACAGAAATAGTACTGGAGAGGAA  
GTAAAGATGCTGGCTGATCTTCGTTGTCGTTAATTTAGAGAGACTGGCTTTTCTTTGGATGCTCTGATTGCAGC  
TCTGCTCGATCTCGAAGGCTTTTTTCTTTTCTTTTTCATTTTCTTTTCTTTTCTCAAGACATATCTTCTGC  
TCTCTAAATGTCAAATGGAATAACTTTGCATATGATGTTTAACTTTTGAATATTGGACTTGATAAATTGTGCCC  
GTCGGCGCATCTTGATGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4964 Novel Gene

AATCCATAGCTCTCTCTATCGCCGTTCTAAAACCTAATTTCAAAGTCTCATCTCCTCCTCAAAGTCCTCAAAT  
CCTTCTTCTCTGCTTCCTTAATCTTCATACGAACAATGACTGCAGAGCAAGTGAACCCCAAGGCGTACCCTTG  
GCCGACGCTCAACTTACAATCACCATTCTTGATCTTGTTCAACAAGCTACTAACTACAAGCAAATCAAGAAGGG  
CGCCAATGAAGCAACCAAGACGCTTAACAGAGGTATATCTGAGTTCGTCGTAATGGCTGCGGATACGGAGCC  
TCTTGAAATCCTCCTACATCTTCCTCTGTTAGCTGAGGATAAGAATGTGCCCTATGTGTTCTGCTCCCATCTAAGCA  
AGCACTTGGCCGAGCCTGCGGAGTTACAAGACCTGTTATAGCTTGTCTGTGACAACAAACGAAGGAAGCCA  
ATTGAAGTCGCAAATACAGCAACTTAAGGATGCGATCGAGAAGCTTTTGATTGAAGATGTAGGGAATGGTG  
ATTCGGTATGATGGGCTTCTTGTTTCATAGTGTTTCGCTCCCTTAGAGGCTTTGACTGATGTGAGTTGTGCAA  
GTAGAGGAATATGTGTAACAAACACTACAATTTTCTTTTCAAGAGATACGATTTATTTTATTAAAAATGATA  
ACGTGATCCTTATTCTGTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4965 AF412096|*Arabidopsis thaliana* AT4g28060/T13J8\_170 mRNA, complete cds

AACATCTCTTCTTCGTTCAACTTAAACTGCGTCTTCCTCTACGTTGTATTAGAGTCTCCGTTTGATCTCCAAAAT  
TTCTAGGAGCTTCAATCCGATCAGTCATGGACGAGATTGAACTGAAAACAGCACCTGCTGACTTCCGATTCCCT  
ACTACAAATCAAACCAGGCACTGTTTCACTCGTTACATCGAGTTCCACAGGTGCCTGACTGCAAAGGGTGAGG  
AGTCTGGTGAATGTGAAAGATTTGCAAAGTATTATCGTGCTCTTGGCCCTGGTGAATGGGTGACAAATGGAA  
TGAGCAGAGGGAGAATGGTACTTCCCCGGTCTCTCTGAACTCGTTCATCACCGGGAAAGCACAGATTGTTA  
ATTTATGTTTGTCTCAAGTTCTATCAAAAACTGTTTGGGAGTTCATTATTTTTCATTGCCATCTTCTCAGAGA  
ATAATAAAGGACAGCCATTTTGTTCCTGTCTTTCTGAGTAGCTATAACTTAACTCAATTGTTGATTGTGGATAC  
GCTGAATTGATCCCAAAATGCACCTCCTTGCCGTTTCTCCTTTCTTGCCAATCGACTCCCGCTTGATTTGTTTTC  
AATCTTCTGTGTAATTAGATCTTTAAACCAACTTAATTTGCTCCATTTATTGTTGATTCTAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4966 AB072391|Nicotiana tabacum NtSIP1 mRNA for 6b-interacting protein 1, complete cds

TCTCCATCTTCCCTTCTTCTTCTTCTCTCTTTCTATTCTTATCTTCCGATTTCTCATGGGTGATCTCACCGAT  
TCTCACACCCCTTCTCTGCTAACTCTCGCCAAGTTCCCATTCGCGAGGATTGTTGGAGCGAGGACGCTACTTC  
CACTCTCATCGACGCTTGGGGTCGCCGATTTCTCGAGCTTAATCGTGGAATCTCCGTCAGAAGGACTGGCAA  
GACGTTGCCGATTCTGTAACTCTCTCCATGGTCTTACCAAGAAGACCCATCGCACCGATGTTCAGTGTAAGAA  
CCGGATCGATACCGTTAAGAAGAAGTACAAGACCGAGAGGGCTAGGGTTTCTGCTTCCCATGGAAATTTCTGT  
TCCTCTTGGCCTTTTATGCTCGTCTTGATGAACTCATTGGCCCTACTGTTTCCATGAAGAAACCCTCTTCTCCTC  
CTTTGGCTCTTCTTGGCCCTCCGTAAGACGCCTCCTCTCCGCTGCTGCTTCTTCTGCTATTGTGCTGTCTC  
TCAGAAGCGGCCTGCTGCTGCGATGGAACATGTGTCATTCGGAGGAATTACTCGGCTACGGCGGCTGCTGC  
TGCTGCGGTTGCATTGTGCGAGGAGGAGGAGGATGAAGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGAGAGTGA  
CGACGATGAAGAGGCGGAAGGGGAGGGTATGAGTAGGTTGGCAAGAGCGAT

>trans\_c\_4967 NM\_122047|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family protein (AT5G20400) mRNA, complete cds

AGTTGTTGGTGAGTACACTACTAATGTGAAGCTGATAAGTGAGAAAATCCTCAAGGCCATGGCAAGGTCGTT  
GGATTTAGATGAGAGTAGTTTTCTTAGCCAATACGGCGAGCAAGTTAACTTGACGCACGGTTCAACTTCTAC  
CCTCGATGTGCAAAATCCCGATCTTGTCTCGGTGTTAAGCCACACGCTGATGGATCAGCCATAACCATTTTGT  
GCAGGATAAGGAAGTAGAAGGTCTTCAGTTCATGAAAGACAATGAGTGGTACAATGCTCCGATTGTTACGGA  
CGCTCTTCTCGTCAATGTGGGGGATCAAGTAGAGATCACAAGTAATGGGATATTCAAGAGTCCAGTTCATAGA  
GTATTGACAACTCAGAGAGGGAGAGGATATCCTTGGCAGTGTTTTACCTTCCAGATTCAGAAAAAGAAATTG  
AACCATTAGAGGAGCTGATTAATGAAAGTCAGCCAAGGTTGTACAAGAGTGTGAAGAACTTTGTTGGGCTTT  
ACTTTGAGTACTACCAACAGGGAGAGAGACCAATGGAGGCTGCAAGAATCTAAATTTGTTCTATGGTGTTTCA  
GCTCTACCCTCTATCTCAGTTTTTGAAGTAATGCATGGGAGGGTAGACTCGAAGTTGGAGGTTGATAGTTTGAA  
CTTGAAAATATTTTTAAGAATTTGGTGTAGTGTAATAATTAATAATAGATTGAGGTTGATT

>trans\_c\_4968 Novel Gene

GAATACAGACGACAAAGGTTCTCCAGCTACAGCTCCCATCAATGCAGGAACAACCACTGTTCTTTCCAATATG  
GGAGTACAATGTTCTTTGAAGTCTCCTCTGATGAACAAGGTGGTTGGAAGCAACTGCACCAAAGGGGCTTTTC  
AGTACCACCTTGCAAAATACAATACCTACTACTGAATGGGTCTGACTTATTTGTGGGGGCAGCAAAGAACATTT  
GGGGTTAACAAAAAAGAAGAAAAAAATGGAAAGAAGACTACTGCCTGATTTTGTGTTTTGAATTACAAG  
CAACGTTTGTGCAGTTGCTGAACACCTTTGAAATCCTCTAGTTTTTCGGCGTCGATTCGGATTGTGTCATCAA  
CGAAAAGAACACCCGGTGGTTTGTGTTGATTGTAATGATATCCATTTGTTGTTATTTATCTGTACCTCAGATTG



TAATTTGTGTATTGTTTAATGTTTAGACTGACTGTTCTAAGAAGTAAAAGTTATGGCAGTTAAGTTATGGAGAA  
ATATTATGATGGAAGGAGGGTGTAAATGATATGATTTTGCCCCACGAATATTGCCATAAACTTTAGAGGCAAA  
ACTTGTTGGCATGAAAAGACCTATAATCTGTAAAAACCCACTTTATGTTATGTTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4969 AB185851|Glycine max Gm pdil-2 mRNA for protein disulfide isomerase-like protein, complete cds

AGATGAATCGAAGGATGTTCTCCTTGAGATTTATGCTCCTTGGTGTGGGCATTGCCAAGCACTGGAACCAACT  
TACAACAAGCTTGCGAAACATCTACGTGGCATCGATTCACTCGTCATTGCTAAGATGGACGGCACAACAAATG  
AACATCCCCGGGCGAAGTCGGATGGATCCCAACAATTCTATTCTTCCCTGCTGGAAATAAGAGCTTTGATCCT  
ATCACGGTCGATACGGATCGGACAGTTGTAGCATTTTACAAATTCCTAAAGAAAAATGCATCAATCCCTTTTAA  
GCTACAGAAGCCAGTTTCAAGTCCAAAAGCTGAAAGTTCTGAAGACAAATCTAGTGATGCAGAAGAGAGCAC  
AAAGAGCACTGACTTAAAGGATGAATTGTGAAGACGTATTATAGTTTTGTAAGTTATATGCATCTCTTATTTC  
CTCTTTTATTGCTTTGCAGATAATGTAGACGATAAATACGAGAGACTAGAAATTAAGAGAAAACCTTTTTTTC  
CCTATTAGAGAAGTTTTGATAAAGAAACCACTCCTAATTTTCACTATTTTCTAATAAGAACAGAAAGAAGA  
GACGAGTCCTTTGGTTTTTGTAGTGATGCCAAGGAGAAAAGGATAGCGTGAACATAATAACATAAATACAATT  
ATTTGTTTCTGATTTTAGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4970 Z68506|P.sativum mRNA for 110 kD chloroplast inner envelope protein IEP110

CTCGGTTTTCGTCCGGTCTAGGAAAATTATGAAACAAAAATTGGAATAATGGCCAAAATTCCTTCTATTAT  
TATCGCGAAAAAATCAAATACAAAGTTTTCTCCTCCGCACCAAGAGGTTGTAATCTATCTCCCATCTCTCGA  
ATAGCAGCTGCAGTAGAGTCATCTATGCCAGCAAATATTGCAAACGAGACAACTTCTCAGGCGTCGGCTCAC  
TCTTCGCATATAGAGTACAGATCAGCAAGTTCTTCTGACACATCCCATGATAAAGACTTCGATGGAACAGCTTT  
GTCACATGCAAGAAGATCATTGAGAGATGATACCACCCCTGACGGTTTCTCTGCCTCAACAAGGCCACGGCC  
TGAATTAAGGAGTTTGACAACCTGCTCTCTGCCAGCTCGCGTACAACCCCTTTGCCTCCTCAGCATTAATGTT  
GAGGTCCAACGGGATTTTCTCATAGACCTCTTCTTCATCGAACTCACCAGTGCCAGATGAGAAAATGTCATCCA  
CGGTCTTTTGAAGAGATTCTCTCGCAATCTCTCAGATATCATGCTATCTAAATCAACATTTGCTTCCTTAAGTT  
CTCTAATCTGCTTAATGTTGAGCCGTCCTTGACCAACAGCAGTTTCAATGGCAGCAGCCATTTTGTGGTTGTT  
ATGTTCTTAATGATCTTATTGGCATATTGAGAAGGCAACCCAACCTTGCTT

>trans\_c\_4971 XM\_002871357|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata aspartyl protease family protein, mRNA

TCCTTCTTTACACTTCACTTCACTTCACTTCTTCTTTACACTTCACTTCATTTCTTATTTCCAACCTCCGTCGGAAC  
CGTCGGTCCTTTCTCCGATCTCTGTTCCATAATTTGGGTTTCTCCATAGCCTTCAGATTCTTTCTGTTTCTGTTT  
TCATTTTGGTCCACCGGCGGGTAACTAAAGCTCCGAATTGTTGGTGGGTTTCTTCTGAACTTCAGATCTCGTC  
TTCGAGCCACTTCCTTCGTCCTTTAAGGACTGAGTTGCAATGTCGCTTCGAAATCTGGTTATGTTGCTGCTGAT  
GGTGATTTTGTTCACCAGGCGGTGTCGATTACGTTACATCGAGGATACTTACAGGTTCTCTGAGGAAATG  
AAGGCCCTTAGGGTTTCAGTGAGTACGAATACGAGTGTACGAGTATCATGGCCTGAGAAGGGGAGTATGGA  
GTATTATCAGGAGCTTGTTAGTGGTGACTTTCGAAGGCAGAAGATGAAGCTTGGTTCTCGGTTTCAGTTGCTT  
TTCCCGTCTGAAGGAAGTAAACCATTCGCTGGGAAATGATTTTGGCTGGTCACCACTACTCTACCTTCCTTC  
TCCTTTTGTCTTACTATTTTTATTCTCCGTTTTGCATTTACTTTTCTGTTTGTCTTTCTTTCTGTTATCTCTCT  
CCCCACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4972 NM\_105840|Arabidopsis thaliana SEC6 (SEC6) mRNA, complete cds

>trans\_c\_4973 BT004757|Arabidopsis thaliana At3g05070 gene, complete cds

>trans c 4974 Novel Gene

>trans\_c\_4975 HM122572|Malus x domestica HD domain class transcription factor (HD14) mRNA, complete cds

AACCAACCCAACCTTGAGCCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAATTGTGTGTTTCTCTAAGTGAACCCA  
AGAAGGGGAATTTAAAAGAAGGGGGGAAAAAAAAAGAAACCCGATTCATAAATTTAATCCTCTACTTCGATTA  
AGAAAGACAAGATTCCAGCCGCACAGGGCGGCGATTGAAGCTCCGGCCACCATGACAAGCAATGGGATGGC  
TTTTTTTCCAGCAAATTTTCATGTTACAACCTTCCCATGAAGATCATGATCATCATCACCCTCTAATTCTCCT  
CCATCTCTCAACCCAATTCTACCTTCTTGACACCTCAAGATTTTCATGGGGTTGCATCTTTCTAGGAAAACGA  
TCTATGTCATTTTCAGGGGCGGAAATGGTTGAAAAAGGGAATAACGGTGAGGATGAATTTTCTGATGATGGG  
TCACAGGCAGGTGAGAAAAAGAGGAGACTTAATATGGAGCAAGTTAAACACTTGAGAAAAATTTTGAATTG

>trans\_c\_4976 GQ497809|Lactuca perennis genotype CGN09323 RPM1 interacting protein 4 transcript 2 (Rin4) mRNA, complete cds, alternatively spliced

>trans\_c\_4977 XM\_002870229|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein translocase, mRNA

>trans\_c\_4978 NM\_001189428|Oryza sativa Japonica Group Os11g0152900 (Os11g0152900)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_4979 Novel Gene

AAAGAAAAATCCATGCACTTATAATTATTATTTGAATTGAAAATGGGACTCTTCGACTTCAATTCAAGTATTTTG  
CTCTCTGAAAATGATGTGAACTCCATGGAATTCACTTTTCTTTGAGATATGTCAATTCCAAAGAAGATGATCA  
AGAAGAAGATCGACAAGAGGAGACATTAAATGGAAGAAGCAACTCAGTCGTTCAAGATGATGATAATGGGT  
TCAAAACTCCAACATCTTTGGAGCATAAAATTCCCACAAGTATTAGTGCCCGATGGCGCCGAGGAAACCAAA  
ACCTCGACGGTTGACGAAGCGGAAGGCCGTGGAACGACACCGGTTGTTGCTGGATCTGCTCTGAGATTCA  
GTCTTTGTTTCCAGCTGAGTTTCTGTAGGCCTTGGTGGTAAGATCAAGAGGGTTAGACAATAAAAGAACTT  
AAAACTTTGATCCATAACTTTTACAAAAAAGAATGTACTACTATTTTCTTTCTCTTGGGTTTTCTTAGTTCTTA  
AAATTGATATTGTAGAAATTAATATCTGTGGTTAGATATCATCTTCTCCGGCTGACTTTCTATCTTCTCCGGC  
GGCCGCGAGGTGCAACTTTGTTAGCTTAAATTATCTGAATCTTTAACATAATATCATAACAAAATTTATGAAT  
CTCTCTCTATTTTCTTTTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4980 Novel Gene

AAAGCGATTAGGGTTTTAGTTACCGCCAGTCAGTCTTCACACACTGCTTTCGAATTTGGGCGTTTTCTTGAAGAA  
GTTTGCTGCATCTTCCTTATCCGCAATCATGGGAAGACTCGTGGAATGGGAGCTGGTCGAAAGTTGAAATCT  
CACCGTAGAAGGCAGAGGTGGGCAGACAAGGCATATAAGAAATCTCATCTTGGTAACGAGTGGAGAGGATT  
CTTTCAGGGTCATCTCATGCCAAAGGGATTGTGCTTGAGAAGATTGGAATTGAAGCCAAGCAGCCCAACTCT  
GCTATTAGAAAATGTGCTCGTGTTCATTGATTAAGAACGGGAAGAAGATTGCTGCTTTTGTACCTAATGATG  
GCTGCCTCAATTATATCGAGGAGAATGACGAGGTATTGATTGCGGGGTTTGGACGTAAGGGTCATGCTGTGG  
GAGATATTCTGGTGTTAGGTTCAAGGTTGTTAAGGTTTCTGGAGTTTCACTTCTTGCTCTTCAAAGAAAAG  
AAAGAAAAGCCAAGATCCTAGAAAGAACCCTAAAACCAACCCACCTCCCAATGAGAATGACACTGTTTCTTT  
AAAATCAAATTTTGATGTACAACCTCTTATTTTAAATTTCAATGACACCACTGCCGTTATTGTTAATTTGGGAAT  
GAAATCGTATTCAAATCATATTCAATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4981 EF031066|Prunus persica EIL2 mRNA, complete cds

CTGGGGTTTAAATAATTTGCTTTTGTATCCTAACTGTGGTGCCATTATTCAAACGATGAACACCATGGGCATCT  
TTGAGGATATTAGCTTTTCCGAAATCTTGAATATTTTTCGGCTCCTCCTGGAGAACAAAGAGACAGCTCAGGA  
GCATGAAGCTGAAGCTGTTTTGGAGGAAGATTATAGCGATGAAGAGCTGGATGTTGATGAGCTTGAGAGAA  
GGATGTGGCGTGACCGAATGCTTTTGAGGCGACTCAAAGAACAGAGCAAAGAGAAGGAAGGTGCTGATAGT  
TCAAAGCAGCGTCAATCCCAGGAGCAGGCCCGAAGGAAGAAGATGTCTCGGGCTCAAGATGGGATCCTGAA  
GTATATGTTGAAAATGATGGAGGTCTGTAAAGCTCAAGGGTTCGTTTATGGGATTATTCCTGAGAAAGGAAA  
ACCAGTCAGTGGAGCTTCTGATAATCTTCGTGCATGGTGGAAGGAAAAGGTTAGATTGATAGAAATGGCCC  
TGCAGCAATTGCCAAATATCAGGCAGACCACGCAATTCCAGGAAACAACGATGAGTGCAATACAGTGGCGTC  
CACTCCTCACACCTTACAAGAGCTTCAAGATACAACCCTTGATCACTTTTGTGAGCTCTGATGCAGCACTGTG  
ATCCACCTCAGAGGCGTTTTCCATTGGAGAAGGGAGTTTCCCCGCCGTGGTGGCCAACCTGGAA

>trans\_c\_4982 Novel Gene

TGACAATCACTTCTCAATCAAAGAAGTAATGGCAGGATATAAAGAGACCCATAAAAAATCTTCAGAAGACGT  
GGCTGTGCGTATGAGAAGATAGGCTATCATGTTGCTTGATATGGAGCATTAAAGAAACATTGTTGAATTGGGAC  
GATCAATCAATCTTTCATTTTCTTCAATGATGATTTACTGGAGGTCTTAACAGATTGGAGTTCGGTTTGTTTCATG  
GATGGAACATAATTTCAAACGCCCATCGAGTGTGTTCATAGATGGGGCTAAATTCAGAATGCCTGACACGTCG  
AAGATGGAATTCAGGGCTTGCTCAACTTTAGAAAGAAGTCATTCTTCACTAACTTGTAGAAGCTAATTG  
AATTGCATATGCTATCAATATATGACTCCCAAACCTTTGATTTGTAGATTTGACTTATTTGGCTTTGTGCTCGAA  
GTTTGATGCGTGTTGCTGGCTTTTAAAGATATTGTAATCAAACCTATTGTGGAGAAATAGCATAGAGTTGACATT  
CTTCTGAGTATAAGAAAGGGTTGGCTTAGTGGTTAGTTGAGATGTGCATGGACATATGTGTGAAAAAATAGA

AAGGGAAATTTGTACATGAATTAGGAACGTATGACCTCTTTTTGGGGGCTCTTGGTCTGAATTTGTGCCCTAAA  
AAAAATAAAAGAATATTGGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4983 NM\_118595|Arabidopsis thaliana PGI1 (PHOSPHOGLUCOSE ISOMERASE 1); glucose-6-phosphate isomerase (PGI1) mRNA, complete cds

CCAACATTTGTAATCAACCCATCTTCACAATCAACTCCTTCATCTCTTTCCATGGCTTCCATTTCCGGCATTGT  
CTTCTTCTCCGTCTTTGAAACCTCAAACCAAGACCCTTTTTCTTGGACCTACTGGGTCAATTACGCAAAGATTCAA  
TCTCGTTTCCGGTTCGTGCCAAGCTCAATGACGGTAGATTGGGTTCTGGTACTGCTCACTCAGTTGCTAAAGAG  
ATCTCAGTTGAATTGTCAGCTGCTGATGGAGGTTTTAACAAGGGGAAGAAGAAGGGTTTAGAGAAAGATCCT  
CGTGCACTTTGGAGTAGATACGTTGACTGGCTTTATCAGCATAAGGAACTGGGTTGTTTTTGGATGTAAGTC  
GGATTGGGTTCTCGGATGAGTTTCTAGCGGAGATGGAGCCTCGGTTTCAAAGGCGTTCAAGGATATGGAGG  
CGCTTGAGAAAGGTGCGATTGCTAATCCAGATGAGAAACGGATGGTTGGGCATTATTGGTTGAGGAACTCTG  
AGCTTGACCTAACTCGTTTTTGAAGTCGAGATTAATAATACTCTTGATGCTGTGTGTAAATTTCGACAGACGAT  
ATCATCAGTGGTAAGATTAAGCCCCATCTTCTCCCAAGGGCCGTTTTACCCAGATACTTTCTGTTGGGATAGG  
TGGATCAGCTCTTGCCCCGAACCCACAATCAGAATGCCAACGCCACTGTT

>trans\_c\_4984 XM\_002327060|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP82C5v1), mRNA

ATGGTTTGTAGACATAACCATCAACACCATGTTCAAGATGGTGGTCGGAAAGCGATTTGCGACTGCCTTTGAC  
GACCATGTAAGCCGTGAAAAGTGCAAAAGGCGTTGGGGGGTTTCTTTGAATTCTTTATAAAATTCATTCCTTC  
ATAATCGTTTTCTTTTTTAGTTGGTTGGATTTAGGAGGACACGAGAAAGCGATGAATAAGACTGCACAAATA  
TTAGATGAGACCTTTCACAAATTCCTCCAAGAACATCGTGAGAGGAGAGATTATTGCAGTACTGGAGAGATG  
GAAGAAAAAGACTTCATGGATGTAATGATTTCTAGTGTTGAAGATGAGGATGGAGAGCAGCTCAACTACGAT  
GCTGATACAATTATCAAAGCCACGTGCTTGAATGTGATATTAAGTGGAATTGACACTGCAACAATTACAATGT  
CATGGGCTCTTTCTTTACTTCTCAACAATGAAAATGCATTAAAGAAGGCCCACTTGAGTTAAACGAACAAGTT  
GGAAGAGCAAGACAAGTGAAAGAGACGGATTTGAAAAATCTACCATATCTCCAAGCTATTGTTAAGGAACT  
CTACGATTACCCACCTGGACCACTCTTAGTCCCTCATGATTCAATAGAAGATTGTACAATTGGTAGCCACCA  
CATTCCAAAAGGGACCCGCCTCATTGTCAATGCTCAAAGCTCCAAAAAGACCCAC

>trans\_c\_4985 FJ980456|Cucumis sativus chloroplast rubisco activase (rca) mRNA, complete cds;  
nuclear gene for chloroplast product

TCAGGAAGTTCGAACGAAACAGCTCTTGAAAATGCCAACGAAGAAACAGTTGAGGCTCTTATCGATACAAAT  
GAGGATGTCCTTCTCATGAAATCCCACTTGGAATTGCAATGAGGATGCTGTTCAAGTCAAAAACCTTCTTACGA  
AGTTGCTGTGCAAGATGCAACTGAGGATGTTGTTCAAGTCGGAATTTCCGAAGAACCGGCTCTTATGGATGCA  
AATGAGGATGTCGTTCAAGTCAGGAACCTTCTATTGAAGCTGCCGCTGTAGATGCAATAAGGATGTTGTTGTAC  
AGTCAGGAACCTTCTATGAATCAATGGGGGAAGAGGAACGCAACAAGTTAATATCAATGTTCTGAAGGCTG  
TGCAGATTCATCTTCTAAAACTATGTCCCAACAGCCAGATTCGACGTCAAAGCTTCCAGCATTGACTCTTAG  
GAATTTTCTACATGTACTGGTATATAAACTAGGGCGTTTTGATGGAGCAATTACTGTTGAGTTGCTTTGGTTCC  
GGTAATGTAAATTGCACTGTAATAAACTTCATTAAGCTTAGTATCATTAACGATAATACAAAATTGCTA  
GTCATTAACAATACCCCAACGTACTTCCAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4986 NM\_126343|Arabidopsis thaliana mucin-related (AT2G02880) mRNA, complete cds

CTTCTTCTCCAACAAACAACAATCAAATCTTCAACTGTTTCGCAGAATCAAACAACCCCATTTCCGGTCTTCTC  
TTCTCCATGCCAGATCCTTACCACCAGATCTTCTTCTTCTCTCTCTCTCTCCGGAGTCGGCAAGTTTAGCAA

TGGCAACGATGAATGGAACGATACTTGGGAATCCGCTTGGCTTCCTGAAGACCTTTCACCAAAGAACAAAGC  
GCCATGGGAGAGTGATGTGAACTTCCCGTCTGAAACACTGCGGTTGTGTTTCCGTCGGAAGTTGATGCAGA  
CACCAAAGCGTTTGTGAAGATATGAATGAGAATTGGGATGAAAGACGAAAGGCTTCTCAAAGCAGAAACA  
AGGAGTGAATCAGGAAGAGGAGGGAGGTGATGGCGGCGGCGGCGGCGGTGGGTCGCTTTATAGCTTGGAG  
AACATAAAGAAAGATTACAGATTGCAGAAACAGAGGGTTCATGCTAATTTGTGGATGAAGGAGATTGAGAAG  
CAAGAGGAGGCTAGGTTGGGGGATTCCGTTGCCGGCAGTGGGGATGACATTGAAAGATTGATGGATAGCTG  
CTCTGAGATTTTTGAATCGGTCAATGATGATTTAAACCATTCAAAGTTCCAAGTTCTAAGGAGTTCAGAAATA  
AACCTGATGGATGGGAAACATTATCAAAGGTCATGATGGAAATGTATGGGAGATGAC

>trans\_c\_4987 Novel Gene

ACTCGACACTTATCCTTCTGATTCTCTCACAAGCGCTTGCTCGCTCTGCTTCATCTTCATCCATCCATGGGATCTC  
TTCCTTTCGGACTTCTTCAGGCTCCATCTCAATCTCCATCTCTCAATCCTCATTACTTCTCTTCTCCAAGTCTGAA  
ACCCTAGGAACATCTCTTCGTGCTTCTTCTACGGCTTCTTGTCAATCTCTACACCTTCATCTCCTTCTTCAATTCC  
TGCTGTATATTGTGGCAGAGGCGATAAGAAAACGGAAAGAGGAAAGCGGTTCAATCATTCGTATGGAAATGC  
GAGGCCTCGGGACAAGACCAAGGGGAGAGGGACTCCGAGAGTACCAACTCCTCCTTCTCCACCTAGGAAGG  
ATAAATTTGACGACGACGAGAAAATCAAGATCGAGATTGACGAGTCTCTTTTTGCTAGCTAGTCATGGAACAA  
TCTAATTCTGTTTATTTGAATGTGTTTTCTAATTGAGAAGGTACTTCCACTTCTTCTAATAGCATTATTTGTAT  
GAATTCTTCAGTTGCTTATCAGCTTCTTGAATGTGTTGTTGTTTTGAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAATGTCTTTAACCATTTCCGAGCAGGAGTCTAAGCATCAATGCTTTATAGATAGTCTTTGCGTCAATACAGG  
CGTTTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4988 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome l, complete  
sequence

CAACAACCTCTCGTTCTTTACATTTCTCCTAGCTGCTTGGCCTGTAGCGAGTCTACATTGATCTTAGTAAAAGGT  
GCTTTAGATGCACGTGGTTCCAAATTAATGCCGGATAAAAAGGATTTTGGTTATAGTTTTCTTGCGACGGTCC  
GGGACGAGGTGGTACTTGTGATATTTCCGCTTGGGACGCCTTTTATTTGGCAGTTTTCTGGATGTTAAATACCA  
TTGGATGGGTTACTTTTTATTGGCACTGGAAGCACATCACATTATGGCAGGGTAACGTTTCACAATTTAATGAA  
TCTTCCACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAACTCTTCACAACCTATCAATGGATATAAT  
CCTTTTGGTATGAATAGTTTATCAGTCTGGGCATGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGGCTTT  
ATGTTCTTAATTTCTGGCGCGGATATTGGCAAGAATTGATTGAACTTTAGCATGGGCTCACGAACGCACAC  
CTTTGGCTAATTTGATTGATGGAGAGATAAACCAGTGGCTCTTTCCATTGTGCAAGCAAGATTAGTTGGATTA  
GCCCCTTTTCTGTAGGTTATATTTACTTATGCGGCTTTCTTGATTGCCTCTACATCAGGCAAATTTGGTTAA  
TTTTGTATGTGTTGTATCCGCGAACCGCGTGCCAGGGACTAA

>trans\_c\_4989 NM\_001053883|*Oryza sativa* Japonica Group Os02g0601300 (Os02g0601300)  
mRNA, complete cds

ACTCATTCTATTCACTCACCTAACTTCTCCCCATCTCTTCTCTTCATCCCTTTGTTCTCCTTTTCTTCTCACA  
ATCATGGGCAAAGTTAAGATCGGGATCAATGGATTGGAAGGATCGGTCGCCTTGTTGCTAGAGTCGCCTTGC  
AGAGCGAGGATATCGAACTCGTTGCTGTTAATGATCCCTCTATCACCACCGATTACATGACCTACATGTTCAAG  
TATGATAGTGACACGGTCAGTGGAAACACCACGATATCAAGGTGAAAGATAGCAAGACTCTTCTCTTTGGGG  
AGAAATCAGTCACCGTTTTCCGTAAGGATCCCGAGGAGATCCCATGGGGGGAGGTTGGAGCTGACTATG  
TTGTTGAATCCACTGGAGTATTCAGTACAGGACAAAGCTGCTGCTCATTTGAAGGGTGGTGCAAAGAAGG  
TTATCATCTCTGCACCAAGCAAGGATGCCCCGATGTTTGTGTTGGTGTAAATGAGAAGGAGTACAAGTCAGA  
TCTCAACATTGCTTTGAACGACAACCTTCGTGAAGATCGTCTCTTGGTACGACAACGAGTGGGGATACAGTTCA

CGTGTGATCGACCTGATCCGTCACATTAACCTCTGTTCAAGTAAACGTTGTCTAAGAGTTCGTTCTAAAGGGAGG  
GGGAAGGCTTTGGATTTTGTGGAGTTGCTCAATTATTAGGTCCTGTCATTA

>trans\_c\_4990 Novel Gene

GGGCTATCTTCAACTCAACACTCTCTTCTTCTTCTTCACTGCTCTTCTCCAATTCCTCTCCAGATCTCTTCTCTGA  
ATCCTCTCCTTTCACATGGCCGCTGCTTTGCTCCGTCGCTCTCCGATCTGGGGGATTGATCAAGGCCTCGGA  
TCTCTCTTCAAAGTCCGTTTCTTTGGGCAAACACCAAACTCGCCATCCGGAGGAAGTGTTCAAAAACCAACC  
ACAAGTTATCAGTTCGCGCTGAGTACAATGATGGTGGTAGAAGTGGCGGTGGGGATTTTGTGCTGGTTTTCT  
TCTTGGGGGTGCTGTATTGGAACCTTAGCTTATCTTTTTGCTCCCCAGATCAGGAGATCTATACTAAATGAAG  
ACGAGCACGGTTTTAGGAGGGCTAAGCGTCCAATGTACTACGACGAAGGTCTTGAGAAAACGAGACAGACAT  
TGAATGCAAAAATAAGCCAATTGAATTCAGCGATTGATAATGTATCATCACGTTTGAGAGGTGGAAACAATAC  
TCCAGCTGTCCAGTTGAAGAAGCTGAACCCGAGATTGAAGCTACCATGTAAAAATTCAATTTAAACATTGTTT  
AACATAAGGTAGTTTTAAATTTTACCTTCTTATAGACCATATATTGAATTCATGTCACAATATGCCACAACCTT  
TAGTTGCAACTTCTTTTTTGGATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4991 X62461|A.thaliana REV3C mRNA for histone H1fk (partial)

AAAAATCAAAATTAGCTGTTTTCTACTCAGACCCCCACATCTCCTCGCTGCAGTTTCTTCTCCCAATCCTT  
CTTCTTTTCACTCCAACAGTCGCCGTCGCCGAGATTTCTCTCCGACATGAAGCTCCCCGATCTCGGCGGAAA  
TGGTGGAGGAATCGTGAACCAGGCACGGATGATCGCCGTGTCGTTGGTCGGCGTTGTGGCCGCTGCCGGAA  
CACATTATCACTGGGGCTGGAAGTCAAGGTCTTCTTCGCCAGGCTTCATTGAGGATCAAAAATCGTGCCGGT  
CATCGGACGGACAGAATCCGGCCGTGCCGCTCCTTTGAGGCGTTCCCCGACTATGTTGCAAGGCAATTGGGA  
TTTAAAGATGTGGGGGAGTGTCCAAAGTTGGGGAAGCCGATAAATGATTATTGAAGAAGAAGAAAGGTTGT  
GAAGAATGGATATATGAATATTTGTTGATGAAAAGGAGAATGCAGCTGATTCATTATATGTGAAGCTCATT  
AAGAGTTGGAGACTTGTATTTGACCTATTTTGCTTTTCATTGGGATAAAGCTCCTCAAATGGTTTCTCAGGTA  
CACACTCCCCACACTACAACCTTTTTATTACCCATAATTTGTAAACACACTAAATTATTTATTAATAAAATTT  
CTCTATCTAATTAATACTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4992 AF236074|Populus alba x Populus tremula cytosolic glutamine synthetase mRNA,  
complete cds

ATCTTAGAGAGGATAACAGAGATTGCTGGAGTAGTCCTTCTTTTATCCAAAACCAATCCAGGGAGACTGGA  
ATGGAGCAGGTGCTCACACAACTACAGTACGAAGTCGATGAGGGAAGAAGGAGGTTATGAGGTGATCAAA  
AAAGCAATTGAGAAGTTGAAGCTTAGGCACAAAGAACACATTGCTGCATATGGAGAAGGCAATGAGCGTCGT  
CTCACGGGACGGCATGAAACAGCTGACATCAACACCTTCTCTTGGGGTGTGCAATCGCGGTGCATCTGTTA  
GAGTAGGACGAGATACCGAGAAAGAAGGAAAGGGATACTTTGAGGACCGGAGACCTGCGTCAACATGGAC  
CCATATGTTGTAACCTTCATGGTCGCTGAAACCACCATCTTGTTGAAGCCATGAGGGGAGGAAGGGAAGGGA  
AGAGGATGAATAATCTTCAAATTATGACTTTCAATTTCAAATGGGATACTGAAATTTAAAAGGGGGAAGTGG  
GTGTTTGATTAGATAAGAATCCTTCTTTGTTTTTATTACGTTGCGAGTTGATATTCTCATCCTTTGTATTATTGT  
GATTTTATGCTTCCATTTGAGGTTTTCCAAGGGCAAGCTCGTTTCGCCACTTCCCCATTGCTCCATTTCTGTAT  
GAAAGGAATAAAATAATAGGATGGGTTTCTATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4993 Novel Gene

AACTTCTTCTCACAAATTCACATATCAGATCTTCTTCTTCTTCACTCAAAGCAATCAGAGCCTCGGAGAGGAAG  
ATTTTGACACTAGGGGTATTAATATATATCTATACAATGAAGAAAGGCTTGACCCCTCAATTGCAGTATGTAT  
CGTATGTCACTCCGAGTGGCAGATTGATGGGTGCTATGATGACCAAATACACAATGTCAGTAAAGTCTACCA

CCTCAGAGCAAAGCGTCAAATGATTGAAAGTGTTGGGCAGCTTGCCAAGTTCAAACGTCGTTACGAGATAGG  
GAATGATGAAGATGCTGCAAATGCTGAAAATGTTGAAAATGCTGAAAAGAAGTGACCTTTAGGGCAGCTCAA  
GGATCAGCTGTTTGCTTGGATGGCTCATTCTAAATTTGTTTCGAGGGCATGGCCTTGTGAGTGTTAGGAATTTA  
ATGTTCACTTCTTTCAATTAATCAACCCCTTTTCAGAGTCTAGTCTTTTACAGGACAGCGAGTTATTTCTATTAT  
GGTTTTGATGTGCTTTTACCATTAGAATGATCTAATCTGCATTCTATTTCTTTTCATTAAATGTGATCACTTTC  
CACCTCTTCTCTTACTGGGAAGCCTAGATTTATGAGACATCTATTTCATAACTATAAGTTGTGTTAAATAAATA  
ACTCAACTCCAATTGCGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4994 NM\_001065744|Oryza sativa Japonica Group Os07g0224000 (Os07g0224000)  
mRNA, complete cds

GGTTTCATCGTCAACAGCGCGGCAGCAAGTTAAGCCTCACCAGCGGCCATGGTTCTCAAGACCGAACTTTGTC  
GATTCAGTGGTGCCAAGATATACCCAGGGAAAGGCATTAGATTCGTGAGGGCTGATTCTCAGGTGTTTCTCTT  
TGCCAACTCGAAATGCAAGAGGTATTTCCACAACCGGTTGAAGCCTTCGAAGCTTACCTGGACAGCCATGTAC  
AGGAAGCAACATAAGAAGGATATTGCTCAAGAGGCTGTGAAGAAAAGGAGACGTACCACCAAGAAGCCCTA  
CTCTAGGTCCATTGTTGGTGCAACTTTGGAAGTCATCCAGAAGAAGAGGGCCGAAAAGCCAGAAGTACGTGA  
TGCTGCTAGAGAAGCTGCTCTCCGTGAAATTAAGGAAAGGATTAAGAAAATAAGGACGAGAAGAAGGCCA  
AGAAGGCAGAAGTGTTGGCCAAGTCACAGAAGGCTCCAGGTAAGGGCAACGTTGCCAAGGGGCTGCATCC  
AAGGGTCCAAAGCTCGGCGGTGGTGGTGGGAAGCGTTGATCTCCTTTTTTGGTTTGTTTGTTATTTAAATTGG  
CAAGTTTAGTAGATAGGACATGTGTTAATTCGGAGTACTTCACGTGTTATGAGAAGTTATCTGTATTCTTCGTT  
GGTTTTGGAAATTTTTTACAATCAAGCAATGCTGTTATTTTTTGTAAAAA

>trans\_c\_4995 NM\_123589|Arabidopsis thaliana scpl42 (serine carboxypeptidase-like 42); serine-  
type carboxypeptidase (scpl42) mRNA, complete cds

CACACAATGTAACCAAATCTTGCAACGAAGCCATCGCTGATGCAAACGGCATTGTGGGCGAGTACATAAACAA  
TTATGACGTTCTTTTGATGTATGCTACCCCTCCATTGTTGAGCAAGAGCTGAGATTGAAGAAATTGGCAACTA  
AAATAAGCATGGGAGTTGACGTGTGCATGACTTATGAAAGGCGTTTTTATTTCAATTTACCCGAAGTTCAAAA  
GGCTCTTCATGCTAATCGTACTAATTTGCCATATGAATGGTCCATGTGTAGTGACACATTAGATTACAATTACA  
ACGATACAAACATCAACATGCTTCCTTTACTACAGAGAATAGTCCAAAACCACATCCCACTTTGGATCTTCAGC  
GGCGATGAGGACTCAGTGGTGCCATTGTTGGGGTCTAGGACACTGGTCCGAGAGTTGGCTCTTGACCTTAA  
CTCAAGGTCACAGTACCCTATGGAGCTTGTTTACAAGGGCCAAGTTGGTGGCTGGGCTATCGAGTACGGC  
AACACACTGACCTTCGCAACAGTGCGGGGGGCGTCTCATATGGTACCCTTCGCCCAACCCTCTAGAGCTCTGC  
ATTTGTTCTCTTCATTTGTAAGAGGGAGGAGGCTCCCAATTCTACTCGTCCTTCCATTGATGATTAAACAAAG  
AAACAAAGTAATATATTTGATTGGTGTGTTTGTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4996 EF091878|Solanum tuberosum ACRE 276-like protein mRNA, complete cds

AATTTTGAACAGACTCCACTTTTGCCAATAAATATTTTCTATCACAGCAAGGATACAATACAAGTGTTAAAA  
TGAAGGGTAGATTACATGATTAATAGCAACCATTGTTTCATAAAATATGGACATGGTTGTGCCATTAAACCTTC  
CATCTTTCAATTAAGAATTGGTTAACCTTTGAACAAAATTGGGGAACCTCATATTTAGCGTGAGGACGAAGAG  
AATGGCAAACGGTGTGATTATACAACAGGTACCGAGATAGATATCGGCACAGATACCTCGCTAGCAAAGCTT  
GTTTCTCTGCTTGAAGCTGAGTTACTTGCATAGGCATAACCAACCCCCAATCCGCCGTAATGCATTGTGACATG  
CTCACATCTTTGGAACACTCTAGCTAGTGAAGCAGCCTTTCTTCGCGCTCGTTCGTACCGGTGAATAGGAGTG  
TTTGAGCAAGCCAGCCAAAGCGGGAGCCTTGAACACTTGTTGCGTTGTGGCAGCACCACTTCGGCATAA  
CTCAAGCAAAGCTGCTACTGCATTCTTTACCTCTTGGTGTACCACATCGCATCATTGCTATCAATCCTGCTAC



AGCTCTCTCTCTTTGGCGACTGCTTCGGCCCCAACAGGCTGTCTAACGATCAAAGCCAATGCACCAGCTGCTT  
CCTCAGCAACACCTTCATTCCCCAATGCTCCTACAAGAGCTGTTACTG

>trans\_c\_4997 BT024569|Arabidopsis thaliana At1g43790 mRNA, complete cds

ACCTCACACCTCTTCCCAATCCAACCTACCAACTTAATTAATCAAGAGAAGTCTTTGTTGACACCAAAAATGGCT  
GTTGAAAATAGTTC AACCTCAATCGAATCCCTCCACCTCCACCTTTTAAGCCATCGCCGTTACCACCACCACCG  
TCACCCGACGGTCACACAGCAATTATTGTAATCGTTTTCATTTCTTAGGCTCTTGCCTTTTCTCGTTGCTTTTG  
TTGCAACTGTGGTTTGTGTTTTATCAAAAAGAGAAAGAAGAAGTCATGTCCTCAAGAAGTTGTAGAGGCCAT  
CCGTATCGATGGACATAGGAAAGTCCATGAAGATGTTGCTGAGGTCGGTCATGGGCAGCAGGCAATGGTGGT  
GACGATTGAGGACGATGTTTATATTGACGAAATTGTTAAGAAGAAAGAGCATGGACATGGACATGGCTTGCA  
TGGAAGCAACATGAAGGAGGCAGCCATAACAATAATTCTACTACAATGGAAGTAGCAGCTTCTTCTTCTAGT  
ACTTCTTGAGAACATGATTGGGTGGCTCCCTAATTCATCTAAATTTTATTCGTATCAATAATAATATGTTGTAT  
TTACAATTACAACTTTTAACTCAGTATAACAATTGAATTTTTTATATATGTTAATTAATTCATATAAAATTGTTG  
GATGGCCCAGAATAATTGATATGTTATTTTTTGTAAATTTGAAAAA

>trans\_c\_4998 NM\_001063909|Oryza sativa Japonica Group Os06g0274200 (Os06g0274200)  
mRNA, complete cds

AAGCGTAGCGGTCTCCGTCGTCGTCGTCAAAATCTCATTTTTCTCCGGCAGTTCCATCTTCAAATCCTCTTACGG  
AGGCAATGGGAAGTGATAGCGAGGCAGAGAAGTCGCGTCAAAAGGACAAAGAAAAGGAGAAGAAGAAGCT  
GTTGGCTCTTGCTCCAATTGCCAAACCCCTTGCCGGCAAAAAGCTCTGCAAGCGTACCCCTCAAGCTCGTTCGCA  
AAGCTGCTGAGTATAAGTGCCTGAAGCGGGGTGTGAAGGAGGTTGTCAAAGCATAAGGCGCGGTCAAAAA  
GGATTGTGTGTAATAGCTGGAAACATTTCCCCATTGACGTGATCACTCATGTTCCAATCTTATGTGAAGAATC  
AGATATTCGTTACGTATATGTTCCCTCCAAGGAAGATCTTGCCAATGCAGGGTCAACGAAGAGGCCAACATGT  
TGTGTGCTGGTACAAACAAAGCCAAACAAAGGGGAGCTTGGATCAACTGAACAAGAGAACTCAAAGCTGAC  
TTTGACCAAGTTGTAGCTGAAGTATCAGAACTTACTAGCACTCTTTTTTGAAAAGTAAAGTTGTTTTCTTTAACT  
TCTCTCAATGTACTTGTAGCATTTCTCTTCAAACCTGGCTAGTGTACTCTGTTTTACCCTCAAATTTGTTTGGTCTT  
ATGCCATTTCTACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_4999 NM\_121109|Arabidopsis thaliana protein binding (AT5G10710) mRNA, complete cds

TATCATAGCCTTCCATTCCATATGATTGAGTTTGTGGTCGATGATTCTGACTGCACGGTGACTGTCAGTCTGAG  
ATATGCTGATCTCATCTACGTGCTGCCAACGAAAATCAGCGTGCTTGATGGCCAATGCCTCAGATGAAGAAA  
AATACTGCAAATTCATCAATCTCGAGCATCAAAAAGGAAAATGGAGGAAGTGAAGTCATCTATTCCAGCTC  
GTTTATCATACGCAGAGGATGCTTTACGAACCATGAGCTTACCAGAAGCTTATGCAGAGATTGTGTTGAATTT  
ACCCCAAGCTATACAACAGTTGTTTCCGCCGAAACCACACTCCTAGTAGCATTTCAACAACCTCGTGCAGCTATG  
CGAATTTGTACAAAGTTATAGCAGAGGTATGATCGTACATTAGTGGCTATTATGTTGTGATGTGACTAACTAG  
GATTCTATCAGTAGAAGCCAACCTCACGTCTACAAGATTTTCATGAAGTTGGAGAAGTAAGAACATGAAAAAT  
CATAGTTTGAAGTAGGTTCAATTATAGGATAGTTAGTTCATAACTAAAGGATCTTTTCTCGTTAACATGGCAGA  
TGTATACATCAAAGAATATATCAAGGCTGGCATTATTATATGCAGTTGTTTTACTTTTAAATAGCCTTTATACCT  
GTGAGTGGAGTGTTTTCAAATCTAAGAAAACCCGTTTTAAATTTTGG

>trans\_c\_5000 AY140088|Arabidopsis thaliana seed maturation-like protein (At5g14970) mRNA,  
complete cds

CCCAACCCATCTTCTTACCTACCTTACTCTTACTGATTCTCTTCCCCTTCCAGATTCCCATTCCCAAATCCCAA  
ATTTCTCCATTATTAATAGAAACGATTGGCGGCAGCGGCGGCAGCAGCGGCGGCGGAAGGATCTAGAAACTC

TTCCACACACCATCCCGGTAATGTCTCCAAGTACTCTGATATGCTGCTCGTCGAGAACGAACCGCCGTCGCTTA  
ATGCTTGACCGTCTTGATCGACCAGATGATTGCTTGTGGATGGAGGAGTAGCTTTTTAGCGGAATGTGAAGT  
TGATATTTGTTGATCTTTGCCGCCATTTAGGTCTTTGCTGTTAGAAGAAAGCGATTGTGCTTTGTGTATGT  
TCGTTGGTTTTCGTGAATCGAAATGTCGCATTCTCTGCAAAGAATTGCCCTATCTTGTTGACAGAATACAAGCGC  
TCTCCGTTCTGACAGATATCGCAAGGAGGAGAATCCTTTTGATGGGTTGAAGTAAAGAGAATCTGGAGTGT  
TTACCAGCGAGCTCATTAGCACGATGAACATGGAGATCACAGGCATGGCAAAGAGCAGCTTCATCAGCATAA  
CAAAAAACAGAGGCCTCGGTTTGATCACAAACATCGCAACGGATCTTCATGAAAAATAAACTAAAAATAAAA  
ATCTAGAATGGAATGTGAATTATGAGAATTTGAGAGTTTTGAGAGA

>trans\_c\_5001 NM\_101362|Arabidopsis thaliana major latex protein-related / MLP-related  
(AT1G14930) mRNA, complete cds

TGGGTGAGTTTTATATATCTTTAAACGAAATCATGTCTTGTGTTCAAAAAATTATGGAGCCAGTAGAAATGAAT  
ATAGATTCCGAGAAATACTATTATTCATCAAAAAATAATGTTTATCATATTCCTAATATTACTTCAACCATTCAA  
GACGTAGCAGTTCACGAAGGTGATTGGGACAATAGCAGTCATGACTGCATAAAAGTATGGAATTACACCATC  
GATGGGAAAGCTGAGGTTTTGAAAGAACAACCGGAATTCGACGACGAAACGCTTAAAATAAGTTTCATTGCG  
GTGAAAGGAGATTTGTTAAAGAAATATAAAAGTTCAAGATCATTCTGAGATCGTACCGAAGGGCCCCCAA  
CAATGTGTGGTTTACATAACTATAGAATATGAAAAGTATGATCCTACCACGCCTGATCCATACAATTACCTTCA  
ATTAATTGCTAAATTTATTAAGGATGCGGAAGCCTATCTCATTCAATAATTAGGACAAATAAAATGGTTTAATCA  
AGTTTATGGTTTTTTTTTATTAATGAAGTCACTCTCCATCCTTACGTAAAATAGATATAGATGGAGGCTCCAT  
CCTTATGTTTGCCTTCTCTTTTCTATTTTCTTGACGTGACCATTTTGGTCTTTCATTATAATAAAACATATA  
TGGAATATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5002 AY575954|Glycine max thioredoxin mRNA, complete cds

GCTACAGAGGGGGAGAGAGAAAGGGAGAAAAATGGGAGTTCTTCTGTCGAGGATCGGAGCTCTTCTTTCTA  
ATTGGTTTCGCCCCCCCCACGGCCGCCGCCGAAGCTGCCTCATCGGAGCCGTCCTCGGTTCACTTTTCACTCC  
TCAGCCAGATGGCAGCTCCACTTCAATTCCGTTTCAGGAACTTCCAAGCTCATGGTGATTGATTTCTCCGCAAC  
TTGGTGTGGACCCTGTAGGCTCATGGAGCCAGCCTTCAACGCCATGGCTAGCAAATACACCGATGTTGAGTTT  
GCTAAAATCGATGTCGACGAGTTAGCTGATGTGGCTCAGCATTTTGGAGTACAAGCAATGCCAACATTTGTGT  
TCCTGAAGAGAGGGGAAAGTGGTGGATACAGTGGTTGGAGCCCGTAAGGAAGAGCTGGAGAAGAAGATTGA  
GAAGCACCGATCGGTATCTGGTTCACTTAGATCCAAAACCCCCAATAATAAGTTCTCTCACTCTCATTCTTAC  
TCTTCTTCATCTTTTATGTAAACATTTGAAAATTATCTATATCCTAACTTGGTCACGATTTGAATTTAAATATGT  
TATATAAACTCCAACCTTGTTCTTGTTTGAAATCAATCTAACTGTCTTCCCTTCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAATTGGTGAAATGATTTTTTTTGTAAAAA

>trans\_c\_5003 XM\_001783622|Physcomitrella patens subsp. patens cellulose synthase-like C4,  
glycosyltransferase family 2 (cslC4) mRNA, complete cds

AAGGAATTGGCTCTTGCAATTCATTTGTAAACCGCCTCAGCAAGAAGTCTCTTATCTGCTCAAGGAATTCAC TTC  
TACTTCCTATTATTTCAAGGTATCACTTTCTAGTTGTTGGACTCGATTAAATCGGAGAGCAGGTCAGTTAACTC  
ATGCTGTTACGATTTTTGGAGTTAGTTCTAAACGAAATAACCCGAGAAGCAGACGGGTTACTTACCGGTCATC  
TGTGGCTTACTTACAAATCAAATCTTTTGAATGTGATGATATTAGAGCAAACCATAGTAGTTCAGTTAGTG  
TTCATAATCTCGTTCGCTCTCGATTGAGGCTGCAGATCACTTCTTGCTTGTGATTTGAGATCGATTGGCTTCTA  
ATTGTGGAACGTATGTTGTAGTTTTGATCAATTAAGTAGAGCAAAGGATGTGAGATGTTAAAGTTATAGA  
AAGAAAAGAAAAGGACCATGAAATTGTTTGGGGGAAGATTGTGATAAAATAGAGAATTGTATACTTGCAGG  
TGCTAAGAGCAGGAAATTCTGAGATTATTGGAACCTTTATTCTTATTTTTGTAAACTGATGATTTATGTACC

ATGAACATATATTTTCATAGTATGTTAAAATTCAATGGTGCTTTGAACTTTAATTATTTATGACAAAGAGGAAG  
GTTGTCATTTCTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5004 AB120324|Nicotiana tabacum NtRIO mRNA for RIO kinase, complete cds

AGATAATTATTACAATGCGGACCCTCTACCAGAAGTGCAAGTTAGTCCATGGAGATCTTAGTGAATATAACAT  
ACTTTATTTTGAGGGTCACCTTTATATTATAGATGTTTCTCAAGCAGTTGATCTCGACCATCCTCATGCCCTCGA  
TTTCCTCCGTGAAGATTGTCTTCATGTTTCTGATTTCTCAAAAAACATGGTGTAGCGGTAATGACAATACGAG  
AACTGTTTGATTTTATAGTTGATCCATGCCTCACTGATGAGACAATCGATAATTATCTAGAAGAGATCCAAGAG  
AAAATCTCGGCTAGAGGTGATATATCCGTGGAGGATGAAATTGCAGATTCTGTATTTGTCCAGTCATATATTCC  
GAAGACACTGGATAGTGTCAAACATGCTGAGGAGGATGTAATACGTTTAAACAAGTGGTCAGGACACTGAAGA  
TATGTATTATAAGACCATTACAGGCTTAAAACAGGCCCTTCCAATAGCTCAACCTACGTCAGATCAAAAAGATG  
AGGAAGAACACAATACAGACGTGATTGGACCATCCGAAAATACAACCAGTTTGTGCGAACTCTTGCGAGAAAG  
AGACCGAATCAACATCAGAGGAAGATGAAGAGAGCTCGAATGAGTCAGAAGGAGAACTGGGTTCTTCAACC  
GAGACTACGCAGACGCCAGTTGACAGAAAACTGCGAGAAAAGAGAACAAA

>trans\_c\_5005 Z97336|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 1

CAGAACGCTAGGAAATCAGATATTTCTGTTTCCAGAAGCGCACTAATGGCCAGAATCACCACAAAGATTTCTTT  
CGACAGAAACATGGATTCTCAGAGCCAGAATCAGGTGAAGTACGAACTCAAGTGATGAGGAGAAAGCTCCA  
GAATGATGGTGGCATAGATTGGAAATGGATAGTCATTGGTGGGACAGCGGCTGTAGTGTGTGGACTTCGAAC  
AGGTGCGATTGGGAAAGCCTTGTTACTTGGAGCAGGACAGAGAATGGCTCGAAGGTGAGAGATATCTAAATT  
AGGCGCTGGCACTGGATTACTATGCATTTTGAAGCTCAACAAGTTTCTTATAATAGGCCGACACATCAACCATT  
ATTGAGATTAACAACATAAGACCAATTTTTCGGAATGGCTATGATAGAGTGATCCTCTTCCATGGATAACTTCC  
ATATTTCTGACCTTCCAGCTTCTACATCTCTTTTGCTTAAATGATTTAGTATATGATTTACATTGGAATTCAGT  
TGAGACTTCAATCAACAACAGCTAATCAGATCTTGCATGTGTTAACTTCAAATAAGTCAGGCTTCTCTTTCTT  
GAAGCATGATTTAGGATTGTGGATATGTAAATTAATGAGAGGATTTGGTTTATGTATTAATATACCTAATAAA  
GATTGTGGGACACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5006 X61030|O.berteriana mitochondrion rps19 and rps3 (exon 1) genes for ribosomal  
protein S19 and ribosomal protein S3

AGATTCCACAATTCTTTCATCTTCTTCTTCAACTCTCACGTCTCTGCCTTTCACAAATCTCTAATCTTCATTCTTCA  
CAGTATCATCTTCTCTTCGTTTCATGTCGCCACGATCTATATGGAAGGGCGGTTTTGTTGATGCATTCCTGATGA  
AATGAAGAAGAATGTAGAACCTCTTATGAACAGGAAAATTTGGTCACGTGGATCTATGATTCTGCCGGAATT  
CGTTGGTAGCACCGTACGAGTTTACAATGGGAAAAATTTTGTTCGTTGTAAGATCACTGAAGGAAGAGTTGGT  
CATAAGTTTGGAGAGTTTGTATGACACGGAACGAAGAATTGCGAGATCAAATAGTGCACCGGCAAAAAGA  
GGGGGGAAAAAGTGAAGTTCAAGCGCATATGCAATTTGGTATTCACTTTTTCTTCTTATTCTCAATTCAAGGT  
TAGTAAATCAGTCTGGTGTCTCAATGTAGTTTGTGTTTCTTATTTTGCGCCACAGACCGTCACTGTTTTCTG  
TTGATATCGCCAAAGCTGTTATTGGTTTCTGTATGATTTTATATACAATGTATTTCAAATTCTATATGAGTTC  
TGTTCTACCATGCTTTGACAGAACTATCTCGAGATATTGGGGTAATAACAATTTTTTGTATCTTGAATTTCTGAA  
AATATAAGACGTCCATGGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5007 GQ377421|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription  
factor 1 mRNA, complete cds

AGATGGAGGAAATACGGACAAAAAGTCGTCAAAGGAAATCCAAATCCCAGGAGCTACTACAAATGCACATCT  
TTAGGCTGCCCCGGTGAGGAAACACATCGAGAGAGCAGCCAACGACATGAGGGCTGTGATCACTACCTACGAA

GGCAAACACAACCACGAAGTTCCAGCAGCACGTGGCAGCGGTGGCGGTGGCTATAACACCATCAACCGACCT  
ATACCAACCAACATTCCAATGGCATTGAGGCCATTATCCGTTGTCACCAGTGATTCTTCCCGGCAAATTTTCCA  
GCTGCATTCCGGCCAGGAAATTTAGGAATGTCAGAAATAGGAACACAAGCATCATCATTCCCATTTCAAACAT  
CACAAGGAGGGCCTCCAAGTTTCCAAGTGTGAGGATTTGGATCGGCAGCCAAGGAAGAAGTAAGAGACGAC  
ACGTACTTCATCAACTCATTTCTATCTTAGATTCTCTCCTTTTTCTTTCTTTCTTCGTAGCTTCGTAAATTAGT  
TGCGGGGAAAGCACGGGATGGGTAGAGTAGAATAGAATAGAATTTAACTTACAAGAAATGAATTTGTTGAT  
TGGTTATATTATTATAGATATAGATGAATTTAGGAGATATGATGCAGTTTGTGTTGTATGAATGAATGAATG  
AATTAATAGTGGTTTAAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5008 BT024617|Arabidopsis thaliana At4g30630 mRNA, complete cds

ATAAACCAAAAGGAAAGAATCGATATGCCTATGCAGAATTCTATTCCAATTCCTGTTCTTGACTTAAACCAGAA  
GGCAAAGACTTCTTCTAGGAAGAAAGCCAATCAACATAACTCGATCCCGGTTTTGACTTGAACCAGAAGGAA  
AGAATGTGCAGTGGGAGAGATGCTAGCGAGAGAAACATCACTCCATTTTTTACTTGAACCAAAATTCGATAG  
AGGAAGAGGAATTGCAGACCCATTACGAGCCGCTGAGAGTTGATGAGCTGAAGAAAAGCCTTCTCGAGGA  
GGGAACGATGAGCAGCAAAACGATATCAAGATTTCGGCATGCAGGAGTATTGGAGATGGTCCAAGTCGAGC  
TGGTAAAGAAAAATTCATGGCAAGATCAGGTAGCTTAAAGGTTGAGCTCATTGTAATCTCTAGTGTCAC  
TTCGAACTCTACTATTTGGGTGATGGGGTTGAGGCATTTCTTTGCCTGAAAGTTACCAAGGTTGATTGTAATT  
CCTTCTCTGATTCTGTATTTTTCTATGTAAAGGGAAAGTAAAGTAGTATTTGTACATGTCAATACATTTAAAAAG  
AATGATGAGGAGATATGGAAAAGGATCAAAATGGAAATCCTTCAGTCTATTGGCTACTTTTGGCTTGTAAGTC  
ATCAGAATCTTTCCTCCTTCATAACCTTTCTCTACTCTAGATGGTACATC

>trans\_c\_5009 BT004574|Arabidopsis thaliana At3g03070 gene, complete cds

ACTTTAAGCTCCCGGGCCGTAGCTCTTCGCGCTCTCTTTCTCTCTCAGCTCAGGTTGTGCGTTTGATCGGTG  
GATCAATGGCGTCAAGTCTGTTCAAATTGCTTCTTGAATCTTCTTCTAATATCCCATCTTCTACTAGAAATCTGA  
GTCTTGTTGCCAATCAAATCGGCCAGCACACCGCCAAATGGATGCAGGATACAAGTAAGAAATCACCCATGGA  
GTTGATCAATGAGGTTCCACCAATCAAGGTTGAAGGCCGCATCGTTGCTTGTGAAGGAGACAGCAATCCTGCC  
CTTGACATCCAATTGAGTTCATATGCCTCGATCGGGAAGAGCCCGCTGTGTGCAAGTACTGTGGCCTGCGCT  
ATACTCAGGACCATCACCACTAGAAAATGTGCAAATGATTATTCCAGCAAGCAACCCGGAACCTTAAAGTCTATT  
GTACCTTTCTAAACTCGACTTCTGTAATGGTTTATACTATTGGCTGCATAAATTAGGAATTTAAGAATCCATTC  
ACTAAGCACTTTGGACGGGTCCATTGTCTTTGCCAAATTTGTTCTATTGCTCTGTCTAGTGAACATATCTTGTT  
GATTCTAATACACAATAAAAGGTTTTTGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTATGGATCG  
CGCTTTTAAAGGTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5010 AF301590|Glycine max cytosolic glutamine synthetase GSbeta1 mRNA, complete  
cds

AAAACCTCAACGTCGGCAAGAAGAGCGGGAATCAAATCATTCCCTCTCTGAAAACCTCATTGATTTGTGTGCTTT  
TCTCTTTCGATTTCTTGAAGAACTATGTCTCTGCTCTCCGATCTCATCAACCTCAACCTCTCTGACTCCACCG  
AGAAGATCATTGCAGAGTACATATGGATTGGTGGATCAGGCATGGATCTCAGAAGCAAAGCGAGGACCTTT  
CTGGCCCTGTAAGCGATCCTTCTAAGCTTCCCAAATGGAATTATGATGGATCTAGTACAGGCCAAGCCCCAGG  
AGAAGACAGTGAAGTGATCCTTTACCCACAAGCAATTTTTAGGGACCCATTCAGGAGAGGCAACAATATTCTT  
GTTATATGTGATGCTTACACACCAGCTGGTGAGCCGATCCCCACAAACAAGAGACATGCTGCTGCCAAGATCT  
TCAGCCATCCTGATGTTGTTGCTGAAGTACCATGGTATGGTATTGAGCAAGAGTACACCTGCTGCAGAAGGA  
TGTAATATGGCCAATTGGGTGGCCAATTGGTGGTTTCCCTGGGCCACCGGGACCGTACTATTGTGGTGTGTTGGT

GTTGACAAAGCCTTTGGTCGTGACATTGTTGATGCCATTACAAAGCCTGTTTATATGCCGGGGTTTAACATCA  
GTGGTATTAACGGAAAAATGGTGCCAGGGCCGTGGGAATTTCAAGTTG

>trans\_c\_5011 NM\_001125634|Arabidopsis thaliana AtGLDP1 (Arabidopsis thaliana glycine  
decarboxylase P-protein 1); catalytic/ glycine dehydrogenase (decarboxylating)/ pyridoxa>  
(AtGLDP1) mRNA, complete cds

GGGGCTAGTAAGGGAAAGCCCGTACTTAACCCACCCAATCTTCAACACTTACCATACAGAGCATGAATTGCTG  
AGGTACCTCCAGAAGCTGCAATCAAAGGACCTTTCACTTTGCCACAGTATGATTCCATTGGGGTCTTGACAGAT  
GAAGCTAAATGCAACATCGGAAATGATGCCCCGTAACCTTGGCCCGGTTTCACAAACCTTCACCCCTTTGCTCCAA  
TTGAGCAGTCTCAGGGGTATCAGGAGATGTTCAATGATTTGGGAGACTTGTTATGTTCAATAACTGGATTTGA  
TTCATTCTCATTGCAACCAAATGCTGGCGCGGCTGGAGAATATGCTGGCCTCATGGTTATCCGTGCTTACCATA  
TGGCAAGGGGAGACCACCACCGGAACGTGTGCATCATTCCACTCTCAGCACACGGGACGAACCCTGCAAGTG  
CAGCCATGTGTGGAATGAAGATTGTATCTGTGCGGAACCGATTCAAAAGGAAACATCAACATTCCAGAGTTGAA  
GAAGGCTGCAGAGGCCAACAAGGAGAATCTCTCAGCACTCATGGTTACATATCCTTCAACTCATGGAGTGTAT  
GAAGAAGGCATTGATGAGATCTGTAAGATAATTCATGAGAATGGAGGTCAAGTCTATATGGATGGAGCCAAC  
ATGAATGCTCAGGTGGGTCTAACAGCCCCTGGTTGGATTGGAGCTGATGTT

>trans\_c\_5012 NM\_001069564|Oryza sativa Japonica Group Os09g0373000 (Os09g0373000)  
mRNA, complete cds

AAGAAGAAAAATAAGAAAAAGAAAAATAGCCTGCTATCGTTCTTCTACTTTTGGGTGGTTTCAAAGTC  
AAAATTCTCTAGCGTTCTCCATTATCTCTTGGCCAGATCTCCATCGAATTGCTGACTGCCCTCCGACGCTCGTC  
TTCTCCAGAAATCAGAGAATGGCTTCATTCCGAGCATTCTTGAACAGCCCTGTTGGGCCAAAACTACTCATT  
TTGGGGACCTGTTGCCAACTGGGGATTGCTGGCTGCCGGGTTAGCAGACATGAACAAGCCACCAGAAATGAT  
TTCTGGCAACATGACAGCAGCAATGTGCGTCTATTCAGGACTGTTTCATGAGATTTGCATGGATGGTACAACCC  
CGCAATTACCTACTTCTTGCTTGTCATGCCTCAAACGAGACTGTACAGTTGTATCAATTCTCACGTTGGGCAAA  
GGCTCAAGGGTACTTGTGAGAGAAGAAAGACGAAGCTGCATCTCAGTAGCTTGATGCTATATTTCCACATCCT  
GTTGTCTCTATAACATTATTTTCTACGGGTTGTAATTTGACTCATTGATAATCATTGTGTATGTTATTTGAAAT  
ATGTCGAGGAACTACTTCAGTAACACCAGAATGGAATTGGGAATTTTTCTCCCGAGAAGCAATAAAAAATTAT  
TTCAGATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5013 Novel Gene

CGCCGTTGAAGGGATCTTTGAAGCTTTTCTTCTCCTTCTTTCCCTATGGCGGCCTCTGCTCGTGCCTTCTTCCTT  
TCTCGTGTCACTGACTTTTCAATTAAGCCCCGTCTACCTCCCCAACCGCCGCCCTTGCCTTCTTCTCCTATTAC  
ATCTCACCTTCAACGGCGCCGTTTTCCCTCTACGTCTGGTGCAACCACTGTTAGCTGCCTTGTCTCCGGTGTTG  
ATGGTGGTGGAGTTTCCGATGACTTTGTTTCCACCCGGAAGTTGAAATTCGATCACGGATTCTCCGTAATCGCT  
AATATGCTTAAGCGGATTGAGCCGCTTCATACATCCGATATTTCCAAGGGTGTTTCTGATGTTGCTAAGGATTC  
TATGAAGCAAATATTCTTCAATGTTGGGTTTGCTTCCTTCTGATCAGTTCTCGGACACCGTTAGGGTTTCCAA  
AAGCCCTCTCCATAATCTCCTCTTTCATCAATCATCACCGGGTACACTTTGTGGAACGCGGAGTATCGGTTGT  
CTTTGATGAGGAATTCGATATCTCGCCCGATAATTTGATGGGCTTGACAGGTCGAAGCCACTGGAAGTTTC  
GGATATTGAGGAGAATCTGGTAGGCGTTGATTCCAATATGGAGGATTTGGATACGAGGCCTCGTCTCTTGTCC  
GATTTGCCACCCGAGGCCTTGAAGTACATCGAACAGTTG

>trans\_c\_5014 AJ223316|Lupinus luteus mRNA for ribosomal protein L30

GCCACCCCTTGTCTGTGAAAAAGCCAGAAGGTATTCTGTACACCTTTTGTAGTAGCGACGATGGCTCCGGCGAAG  
AAGACCAAGAAGACTCACGAGAGCATTAACAACAGGCTGGCCCTTGTGATGAAGAGCGGCAAGTACACGCTC  
GGTTACAAAACCGTTCTTCGCACTATCAGAAGTTCCAAAGGAAAGCTTATTATTCTATCGAACAACTGCCCACC  
TCTGCGTAAATCCGAGATTGAGTACTACGCAATGCTTGCCAAAATCGGAGTTCACCACTACAACGGAAGTAAT  
GTTGATCTTGGAAGTCTTGTGGCAAGTATTACCGTGTCTCCTGCCTTAGCATTATCGATCCAGGTGATTCTGA  
TATTATCAAATCGCTTCCCGGCGATCAGTGATTTTTGTCATTGAGAACGTTAGTTGTTTTTTCTTCTCTTTTGC  
ACCTTTTCTCTTCAGCAAAGGTAAATTTGCACTGATTTTAATGTCCCAGAGTAGCAACCAACTTTAAGCATTAA  
AATTGTATTGTTGATAACCAGATTTTGTCAATGTCTTTGAGATTTTATGTAGAATGCTCAAGTAGTTTCATACCT  
ATTTATGCAAGCAATTGAGAATCGAAAATCTCCTTGCCTTTCGAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5015 Novel Gene

AGGTGTCTCTCTCTTTTCATGGACAAAGGGGTCTATATAAGCAGTGATTGTTGCCTGGCTTAGTGGGTATGAA  
ATTTTGCAACTGTGATGAAGATTCATTCCATACAAAGGTGCAGCTTACGTGTTAATGTGATGGGTCATTTTGAG  
TCATTCCACACTTTGATTGAGGTTATAGCCCAGTGAAAATGGAAGTGTTTCATCAGGAGAGAAGAATATAAA  
AACTTTCTGGTTTTGGAAACATTCAGAACCCACTCTTCACCAATGGACTAGCAGGTAATGGGTAATTCTGGATG  
CAGAGATGGCCTGCAAATTATCATTTAAACGTTTCGTGATGGCTGCAGTCAGCCTCCTAGGACCCAGGATCAT  
TATGACGGTATCCAACCTCATAATCAGTATGCATCTTGAAGTAGAAGGTACTTGTTTTTTCTTTAAGCAAAGAC  
TGTCCCAGTTGCATGTATCATTCTCGTTGATACCTATTGTCTCGACATGTGGCAGCAGCGTTGTGCCGAAGGGC  
TTCATCTAGAAAATGGCAACCTTACATTGGTTCAAGTTTGTACCTTTCTTCTGACTCTTCCCTCCCTGCAAACC  
CCATTTTACTGCGCTCTACTTTGAATTTGTTCCAGCTTCGTATTTAATATATCAATGTGCTTGGAGAGTAGTTT  
CATAGGACTTTGGATGAAGTAGCATCTTGTACATTTCTGTA

>trans\_c\_5016 XM\_002886355|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F2K11.21, mRNA

ATTATTCATCAAACCTTTCAAACCTTCTTCTCTCTTACCCTTCAATTTCAATGGCCAAAGTGTACCCTCAAACAG  
CGCTGTCAACGTCGACGTCGTCGTCGTCGTCGTCATCTTGGTTCCGAAACCGAAACCTTCACTATTTGG  
ATGAAATCTCTAATTTACCACACAAATGGCTGCACAATCTTCGATTCTAATGGAGACATCGTTTATAGAGTCGA  
TAACTACGACAGAAAATGCAGTAGCAAAGTATTTCTCATGGATCTCAGAGGCAAAGTTCTCTTACCATCAGA  
AAAAAGAAATTCTCGATTCTTGGTGGATGGGAAGGATACCGATGGATGGAATCAGAGAGAAGTAAGAAGCC  
TAGTTTTGGAGTGAAGAAATTGTATAGATCGGGATCGAGGAAGAGAAAATCAATCGGCGGTTTGTGAAATTAA  
TGTAGGATTTGAGAGATTTTCATTGGTGAAAATGGATGGGAAATTGGCTTTCAGAATAATCAACATCAATGGA  
GAAGTAGTTGCAGAGGCTAAAAGAAAAGTATCGTGGAACGGAATATTGTTGGGAGATGATGTGTTGAGTTTG  
AATGCAAAATCTCAGATCGAAACATCGTTGGTTATGGCTTTGGTTACTGTTTATGGATTAATCCGTCGCCAAAT  
GTAAAATCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5017 NM\_106527|Arabidopsis thaliana glycosyl transferase family 1 protein (AT1G78800)  
mRNA, complete cds

TCAAAGGTTGTATTTTATTGTCATTTTCCGGATCTCTTACTGGCCAAGCACACGACAATTTGAGGAGGCTGTA  
TAGAAAACCCATAGACTTAATTGAAGAACTGACAACCGGAATGGCAGATCTGATATTAGTTAATAGCAAATTT  
ACTGCATCCACTTTTGCCAAGACATTCAAACATCTTGATGCACGAGGAGTTCGACCTGCTGTTCTCTATCCAGC  
GGTTAATGTAGATCAGTTTGACGAGCCCCATTCTTCTAAGTTGAGTTTCTTCTATCAACCGTTTTGAAAGGA  
AGAAAAACATTGAATTAGCTATCTCAGCCTTTGCCAAGCTTGGGACGCTTGAAGGAGGCACTCTTCAAGATTA  
CAATGTAGCTGATGTTTCCTTGGTCATTGCTGGAGGCTTTGATAAACGGCTAAGAGAGAATGTTGAATACTTG  
GAGGAGCTCAAGAATTTAGCTGAAAGAGAAGGTGTATCAGAACGTGTTACCTTCATCACATCCTGCTCAACAC

TTGAAAGAAACGCTCTTCTTTCCCAATGCCTATGTGTTCTCTACACGCCAAAGGATGAGCATTTTGGCATTGTT  
CCTTTGGAAGCCATGGCAGCTTACAAGCCAGTTATTGCATGTAACAGTGGGGGTCCAGTTGAGACCATAAAAC  
ATGGCACACAGGATTTCTTTGTTTCGCCTAATTCTCAAGAGTTCTCT

>trans\_c\_5018 NM\_101493|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G16270) mRNA,  
complete cds

AGACCAATTTGCAAGGTAGCTGATTTTGGCCTCTCAAAGATCAAGCGAAATACCTTGGTGTCTGGTGGTGTA  
GAGGAACCTTCCATGGATGGCACCTGAGCTACTAAATGGCAGCAGCAATAAGGTCTCTGAAAAGGTTGATG  
TGTTCTCCTTTGGTATTGTCTTATGGGAGATTCTCACAGGAGAGGAACCATATGCGAACATGCACTATGGGGC  
TATCATAGGGGGTATTGTGAATAATACATTGAGACCAACCATAACCAAGTTACTGTGATTCTGAATGGAGAAGG  
TTGATGGAACATTGCTGGGCGCCAAATCTACAGATAGGCCATCCTTCACTGAAGTCGCTGGGCGGCTGCGCG  
TTATGTCAACAGGTGCTAGTAGCCAAACAAAAGCACCAGGTCCCAAATACCAAGGTCATAATGATTCAAAAA  
GATTGTTGAGTTATTCACATGCTTTCTTATATATATTTGTTCACTTCTATTCTACAGTCTTGAAAATTGTGTGTAT  
TTTTGTCAATAGAAGGTAGATAAGTGTCTTTCTTGGTGTGAAAATATATTATTGTGAACCTCATATAATTCTTTA  
TTATAGTTGATGCAAAAACTGATTAAGAAAAAAAAAAGAAAAAATAGTCATAGCCAGGCATTGCTGCAATTG  
ATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5019 Novel Gene

GCTTATGTTGCATGCGAGTGCTCGTCTTAGACTCGAACTCGGATGGTTCGCACACCTCCGTTACTCTTTAGGCT  
TACGAAGGCTCATCCCTCTGTTGAGGGACTTCGGTTGATGGTGTGTGACAACACTCCCACCTATCTACACATT  
CGATCAAGGTTGTCACTGCGAAGCTATAGTGAAGGTGCACGGGGTCCCGTTACTCGATTGTTGGTACTCCGCA  
TCTTCACGGAGAATTCAATTTACCGGGTCCATGTCGGAGACAGCGGGGCAGTCGTGACACCATTTCGTGCAG  
GTCGCTACTTATGCGACAAGGAATTTGCTACCTTAGGACAGTTAGAGTTACTGCCGCCGTTTACCGGGGCTT  
CCATTCAAAGCTTATCACACTTCTCCTTCCGACCTTCCAGCACCGGGCAGGTGTCAGACTCTATACATCGTGTTA  
CCACTTAGCAGAGTCCTGTGTTTTAATAAACAGTCGCTACCCCTGGTATGTGCCGCTTTCCTAAGAAAAAGA  
TAGGAGAGCACCCCTTCTCCCGAAGTTACGGGGTCATTTGCCGAGTTCCTTCGACATGGTTCTCCCGCTCACC  
TTAGGATTCTCTCTCGCCTACCTGTGTCGGTTTGCGGTACGGGCACCTATGATCTAACTAGAGGCTTTTCTTG  
GCAGTGTGAAATCCGGAACCTTCGGTACTCAATTTCCCTCCCCATC

>trans\_c\_5020 NM\_120266|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT5G01880) mRNA, complete cds

ATCCTGGTTCTTCTCAGAAGATCCTCCATGGGAAACCAAGCTTTTTGCAGCCATGGACACTGTTCTTTGATATG  
CTCTTGATTCTGGTTTTTTGAGTGACTGGTAAGATGCTTCGAAACTTCCTAAGAATCCTAAAAGCTGTTTGATT  
TAACTCTCAAAGAATCATCATTATCATCCTTTCTAGTTGAAGGCAGATCAGGAAGAATCAAAACAAAGCCCCC  
TTTTTACAATTGAGCTTCGATTAAGGTCCAGAGAAGAGAGAGCTAGAAGGTGTGAACAGAGAACACGAGGGT  
TTTATTGGTACATGAGTGGATATGAACCTTCTACTTTAAGTCTCTATTATGAATCGATTGAGTCATCAAAGAATT  
ATAGGGTTCTGAATTATCAAGTTTCACTGTGGAATTTATCAACCAGGTTCAAGATCTAAAAGTGAATTACCTG  
ACAGAAGCAATCCTGTTGTTGCTTTGAAGTAATTAGCAGCTCCTATGACGATGGAGTCCAATCACCACCGTCC  
GCGCTCTACCGCCTCCTCCTCGACGCCGACGACGGCAGCACCGTCCAACGGAAGCAGAACGCGAAATTC  
ATATAACAACGAAGCCAATTTGATACAAACATGGTGATAATTCTTGCCGCTTTACTCTGCGCACTGATTTGCG  
CTCTAGGATTGAACTCAATCGTCCGGTGCGCCCTCCGGTGCAGCC

>trans\_c\_5021 Novel Gene

GTCTGTGGCTGTGGTATATTATCTTCTGTTGCGACCTAACCCTAAGCCCTTCGTCATCACGTCCGGTCGCTGCG  
AAGAAAGCCGAGAAGGATCCCCAGGTCATCAACTCTTCTTTAGCCCTTGCCGAGCCGCAGAGCCGTCAGTGT  
CGTTTTCACTTTCTCGGTGCAGTTTACTTCGTCAGTTTCTCACTCTTTGACTGCTCGTTTTCGAGTGTTCATGG  
TGGGTCGGACGTTGGAAATATTGGATTTAAATTTTGTCTGTGAGCTCCCTCGTTTTCTGGAATAGGGTGGGG  
CATTTTGTGGTTTAAGGTGAAATGCATTTGCCGATAACAACATTCCTCAACTTTTTGCTTCTCCAACATTTTAT  
TTATTTATTTCACTTTCTTGTACCTTGGAAATCTTAAATTTGTATTCGATTGTTATCTTCGTAAGTGGGCT  
GTAAGAGCCAGCACTAGAAGGAATCAACAACCTGGTACCATGCCAACGTTTGAGTTTTATTTCTTAATTATGC  
TTTTGTGCATCCCGTGTACCGAATTGGCCCAAAGAATTTCTCAATTTATGTCCTATTAGTTGGGATTTATGGAC  
TAAAGATCGTGACTTAGAGATCCACCTTCTGAATTTTGTTCATTTTCTTAATTGATAGTGCATTGTTGTATTT  
CTGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5022 Novel Gene

TTGCACTTTGGAGATGGCTGCTGCTTCTGCTTCGCTGATTCTCCCCATCAATGGAGGAAACCTTCCGCCTTCCC  
AATACCTCTCTTTCCGCCATAGTCACCCTTCTGCTACTTTCTCCAGGTTGGGTTGGAGTAGGGACCAAGATGTT  
GGCAGAAGTACCCACAGAACGAGGGGTCAAGCATTTTGAATCTCTAATGTCTCGCTGCTAAAGATGGGTTA  
ATCAACAGGTGATTATGGTAGACCCCTTGAAGCCAAACGTATGGCGGCAAAAGAAATGGAAAAGATCAAA  
GCGAAAGAGAAATTCAAGAGAAGACGTCAAATAGAAGCGATTAATGGAGCATGGGCAATGATCGGTCTGAC  
GGCTGGGCTTGTCAATTGAAGGTCAAACCGGAAAAGGAATTCTAGCACAGTTGGCCGACTACTTCAGCATCCTT  
ATCAACTTCTTCATACGGTAGAAGCATCTTCGAGGGGAAAAGGAGATCTTTGAATGAAAGAGGCAGTGAGAT  
GAAGAAGCAGGTTCCAACGGTCTTTGTTTTGAAGGATTCTATTGGCAATACAATTAATGTACTACCATTTTTT  
TAAAATATTCTCTCTTGTGAAGTCTATAAGCTTGAATGATTCAAGATTAATTAATTAATTATATTCAATGATT  
GAGTTTAATTAATTAATTACATTAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5023 AJ310148|Rauvolfia serpentina mRNA for arbutin synthase (as gene)

ACTCTGAAGAGTGCTCAAATCGACGAATTGGCGTTAGGATTGGAAATGAGTGGACAAAGATTCATTTGGGTG  
GTTAGAAGTCCTTCCGACAAAGCCGCAGACGCCACATATTTAGCGTCCACAGTCAAAGTGACCCACTCGGTT  
TCTTACCGGAAGGATTCTAGAAAGAACGAAAAACAGGGGAATGGTGGTGCCGTCGTGGGCGCCACAAGCT  
CAAATTCTGAGCCACGGCTCCACCGGTGGATTTTTAACGCATTGTGGATGGAATTCAACGTTAGAGAGTGTGG  
TAAATGGGATTCTCTGATTGCTTGGCCGTTGTACGCAGAACAGAGAATGAACGCAGTGATGCTTACGGAAG  
AGATTAACGTGGCATTAAAGCAAAAAGGAATGAGAAAACAGGGATAGTGGAGAAGGAGGAGATATCGAAA  
GTGGTGAAATCTTTGTTGGAAGGAGAAGAAGGGAAGAACTGCGTCGGAAAATGAAGGAATTGAAAGAAGC  
ATCGGAAAAAGCAGTTGGAGAAGATGGATCATCCACTAAGATAGTGACCAATTTGGTGAACAATTGGAAGGC  
TAAAATTTCACTTAGGAGAACTCTATTTCAAATTTGAAATTTTATGCTTTTGTAAATTTTACGTGTTTGTCTCT  
AATAAAAGTATTCTTCATTTGTTCAATTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5024 Novel Gene

GAACAAGGACTTGTATCAGACCACCTTCTCTGACGACGAAAAGAGCCTCAAATTCTTGCATGGAGGATTCAG  
TTTTTGGAAGAGATCAGAAAGCTCGACTTCAGCCCCAGTGGCATCTCCACCATTTGTTCAAGTCAACGACCT  
CAAAAACCTCGCTGGACTCACAAAGTGGGAGCTCAGAAACGCCACCAAGCGAGCTCTGCAACTATTCCAAGA  
CAATTATCCTGAATTCGCTGCCAAACAGGTGTTCAACGTGCCATGGTGGTACTTAGCTGTGAACAGGATG  
ATCAGCCCCCTTCTCACTCAGAGAACGAAAAGCAAGTTTGTGTTGCTGGACCATCCAAGACTGCTGAGACCC  
TATTCAAGTACGTTGCTCCTGAACAAGTACCAGTTCAATATGGTGGATTAAGCAGGGAAGGCGAGCAAGAAT  
TTCCGTTGAAGACCTGTTACTGAAGTTGCCAAATTGGCAGCAACCAACACACTGTTGAATTTCCCAATTTCT  
GAGCCAAGCCTTCTGGTTTGGGAATTGAGAGTTGTAGGATGGGATGTCAGCTATGGGGCAGAGTTCTCGCCC



AGTGCTGAAGGTGGCTATACTGTGATTGTACAAAAGACAACGAAGCTTGGGCCAGCTGATGAACCTGTGATT  
TCCAACAGCTACAGGGTTGGCGAAGCTGGTAAAATTGTGCTCACCATCGACAA

>trans\_c\_5025 Novel Gene

CTAGCGGGACATTTCTGTCAATCGGGGAAGGTTTTTGGTGACAAGACCTGGAGATATCAGAAGTGAGAATGC  
TGACATGAGTAACGAGAAATCCTGTGAAAAACACGATCGCCTGCCAGTGGAAGGCTTTCTGCGTTCAGTCAAT  
CTACGCAGAGTGAATCGGTCCCTAAGGAACCCCCGAAAGGGCTGCCGTCCGATGGGTACACGAAAGTGACGA  
AGTAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTGTCTGTTGGAGCGAATAGGATGATCGGGCCGAGGGCAGCCCCCTC  
TCCCCCTACTCTCCTTTCCCGCTCCGTGGGATTACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACTCGGCCTGGTCCG  
GTCGCCCTACGCGACTGGCGCGGCCGAAAGGCGAAACTCTCGTCTCCGTTTGCGACCGCTACGTGGGGGGC  
GGACACCTTTTTTTGTTATCTAAAGGCTTTGACTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGG  
CTCCGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTCGTTTTCGAATGTCTCGTTC  
AGCCTCACGAGTCTACAAGCCTTTCTCATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTACCCAATCCATCCCGAACTTGGTGG  
TTAAACTCTACTGCGGTGACGATACACATCCCCTCCAGGACGCCTGGGT

>trans\_c\_5026 Novel Gene

AGCGATCCGTAGACTGAGAACAGGCACAAGGAAGAGGAGAGAAAGAGGAAAAGCTATGGGGAGGAAGAA  
GACAGTGGAGTTCGATGAATCTCCCCGGACGATTTTCGATCCGGAGAATCCGTATAAGGATCCAGTGGCGAT  
GTTAGAGATGAGGGAATACATTGTAAGAGAGAAGTGGATCGATATTGAAAAAGCCAAGATACTGAGGGAAA  
AGCTCAGATGGTGCTACCGTATTGAAGGAGTCAACCATCTGCAGAAATGTCGTCACCTCGTTCAACAATACCTT  
GATTCCACTCGTGGCATCGGCTGGGGCAAGGACGGGCGTCACCCATCCCTTCACGGTCCTAAAGTGGAGCCA  
GCCGAATCGGAGTGAATCGCTGGGTGGAACAACGGTAACTAAATGGCTTACAGGGAAATGTTTGGATGGTT  
TGACGACCCTCATCAGCTGTAGTTTTTTATTATTATTCTTTATAAAAAAAAAAAGGAATGTGCATGGATCA  
TCACAAACAATGCTATTGGCAATTGATTAACGTTAGGTTTTTTGTAATTGTCAATAAACTTAGACGTCAGAAA  
CACACCCAAATAATCAAACTCTATCACTGCATCCTTCTGTTCAACCTCCGTATTACTCTTTTCGTTTAAAGTATT  
GCTTCATCAGGTTGCCTATTTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5027 DQ001749|Cucurbita pepo voucher P.M. McNutt 015 (FLDCI) 16S ribosomal RNA  
gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GGAACAAGTTGATAGGATCCCCAAAAGGAAAGAGAGGGATGGGGTTTCTCTCGCTTTTGGCATAGCGGGCCC  
CCAGCGGGAGGCCCCGACGACGGGCTATTAGCTCAGTGGTAGAGCGCGCCCCTGATAATTGCGTCGTTGTGC  
CTGGGCTGTGAGGGCTCTCAGCCACATGGATAGTTCAATGTGCTCATCAGCGCTGACCCTGAGATGTGGATC  
ATCCAAGGCACATTAGCATGGCGTACTTCTCCTGTTTGAACCGGGGTTTGAACCAAACCTTCTCCTCAGGAGG  
ATAGATGGGGCGATTAGGTGAGATCCAATGTAGATCCAACCTTTCTATTCACTCGTGGGATCCGGGCGGTCCG  
GGGGGGACCACCTCGGCTCCTCTCTCTCGAGAATCCATACATCCCTTATCAGTATATGGACAGCTATCTCTCG  
AGCACAGGTTTAGGTTTCGGCCTCAATGGGAAAATAAAACGGAGCACCTAACAACGTATCTTCACAGACCAAG  
AACTACGAGATCGCCCTTTCATTCTGGGGTGACGGAGGGATCGTACCATTGAGCCTTTTTTCTGCAGAAAA  
AAATTCTTGAGTTCTCCCTAGTACCGACATAGGATTTTCTTAATCCTCCCTTCCCGAAAGCGAAAGGAAGAACG  
TGAAACTCTTTTTCCCGATTGGTAGAATCCTTTCGAGACGACTTAAATAC

>trans\_c\_5028 Novel Gene

AATGTTGATCCCACTAAAACCAGGGTCATTTTCCAGGGAATCTCCCCACTCATTATGAGGGAAAGGGTTGGA  
ACCAACCAAAGAGGAGTTGCAACGGAGAAAGTGTACCACTCTGGGGTCACTGTATCCAGCAGGGACACCCC

CCGCTGCAGAAATTTTAAAGAGAGTGCTCAGTAGAATGAGGAAGCCAGTTTTCTTGCTGGACATTACAACGTT  
GTCACAACTGCGGAAAGATGCTCATCCCTCTACTTACAGCGGCGAGCATGGGAGAGATTGCAGCCATTGGTG  
CCTTCCCGGTTTGCCCCGACACTTGAATGAGCTTCTCTACGCAGCTTTCACCATGTGAAGGCCAACCGCAAAAC  
ACTTGAAGCTCTTTTCGTCTCTGCGATTCTCACAGGGAGTGTTAGATGATAGAACTTCATTCATTTGATTAAC  
ACCTTAACGGTAATTGGAAGCAAGAAAGTAATGGCAACAAAGCAATTGTACTAAAATTAATGTAATGGCAAC  
AAAGCAATTGTATAAAGTATTTTAGTTGTTGGAGCTTCTTAAAATAGTTTCAAATCGACAAGGAAAGAAAGAA  
TACTCGTGAAGTGGTGAGAGATTGTATGAAGATAAATGTTTGAATTAATGGATAGACGGGTCCAATTGAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5029 HM122493|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L2)  
mRNA, complete cds

AAACCATTATTTCTGTTCTTTTTCTCTCTCTAAATTTCTCTCTCTTTTTCTCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCCCC  
TTAGCCAGGACTGTGAAACAACTTAGGGATTTTTTAAATTCATTAAAGTTGGGACAAAGTGAAGAGATATTA  
TATGATGCCTGAATTTGTTTCCACAATGAGCAATTTGATTGGTGAAGAACAACAATACCATAATTTCAATC  
CAGTTCTTGTTCTCTTAAGAAGAAGAGAAATTTGCCAGGAACACCAGATCCAGATGCGGAAGTAATAGCGAT  
GTCTCCGAAGTCTAATGGCAAAGAATAGATTCGTTTGCAGATATGCAACAAGGGATTTAGAGAGACCA  
GAACTTGCAGCTTCATCGACGAGGGCACAACCTGCCATGGAAGCTTCGACAAAGGACGAACAAGGAAGTGAG  
GAAGAAGGTGTACGTGTGCCAGAGAAGAGTTGCGTACACCACGACCCGGCGAGGGCGCTCGGTGACCTCA  
CCGGGATCAAGAAGCACTACAGTAGGAAGCATGGTGAGAAGAAATGGAAGTGTGAGAAGTGTCTAAGAAG  
TATGCAGTTCAATCAGATTGGAAGGCTCATTCTAAGATATGTGGGACAAAGGAATACAAATGTGACTGTGGG  
ACATTATTTTCCAGGTTTCATATATCTCTTTAGTTTCTATATTTTAAA

>trans\_c\_5030 XM\_002298142|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb6  
(Lhcb6-1), mRNA

AACACATCCTCTTCTTCATCATATCATAAAACACAGTCCGTTACATACCTGAAATCTTCCATCTCAAAAACCATG  
GCTGCAACTTCTGGTGCTGTGCTTAATGGATTGGGCTCACCTTCTCCGTGGAAGTAGCAGAACTCGGACCT  
TGCTGGCCGGAGCTAGAGGTGGTGTCAATGTTGTGAGCTCTAGCAAGCTTGTCGTCATCGCTGCTGCTCAGCC  
TAAGAAGTCTTGATCCCTGGTGTAGGGGTGGTGGCAACTTGGTCGACCCAGAATGGCTTGATGGCTCACTT  
CCAGGTGACTACGGCTTCGACCCATTGGGTTTGGGGAAGGACCCAGCATTTTTGAAATGGTATAGAGAAGCA  
GAGCTGATCCACGGGCGGTGGGCAATGGCAGCAGTGGTCGGAATCTTCGTCGACAAGCCTGGAGTGGAAT  
CCCATGGTTCGAAGCCGGAGCAGATCCAGGCGCAATTGCTCCATTCTCCTTCGGATCACTTCTAGGAACCCAG  
CTTCTGCTGATGGGATGGGTTGAAAGCAAACGATGGGTGGATTTCTCAACCCAGAATCTCAATCGGTGGAAT  
GGGCAACGCCATGGTCGAGGACGGCAGAGAATTCGCAAACGCTACCGGAGAACAAGGGTATCCCGGAGGA  
AAATTCTTCGATCCATTGGGATTTGCAGGAACTCTAAAGATGGGTTTACATT

>trans\_c\_5031 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGCAGCATAATTATGGATCTCATTTACATGATATATACATACAAAGTTGCA  
TACAAATTCATACAGAAAGGATAATATATACATACTTGTTGACTCATCTATGGTGCACCGGAGATGAACCATTT  
TGCCATATACAAATATTCAACTTGATCATGCCAGAAGAACTGAATAAATCACGTGGAATCATAAGAAACCTTGT  
CGAGTGACAACAATCTGACGACGATTGAATGTTCTTCATGGAAGATTGTAAAACGAGGGAGAGGTCTTGAGT  
TTCTGCACGGAGATCATAAGAAAATGTTTCCTTCAAAGAAGGAGGTTGAAGGCAACAAATTTTAAACAACACTT  
CCCAGATTTTCGGAACCTATTGCTGAGAATAAAAAGAACACCATCTTGTTCTTGAAGGACGTGGTAAGTATCGT  
TAGTTTTTAAGCAAATGGTAAAGCTAGAACTGGAATGGAAGTTGGTAGCAGAGTTTGTATGTTTATTGCTAAA  
GTGTAATGATAACTGCTTAGCTGAGGCTATAAATTTGCAATCCGAATAGGGGCATAAACAAGGGGCATATAG

GCATGTCTTTTCGTGGTCACTTTCGTTGCCATAACCAATGATCTCCTTGCATCCAAATTTTGATTGTTTGCAGGG  
TAATTTAATGGATTCAAGAACCTTCTCAACTGCTCGACAACGAT

>trans\_c\_5032 AY106172|Zea mays PCO060652 mRNA sequence

CAACATTCTGAAAGGACTGACGAAAATTTTCAAGGACGGAACGGGTTCAAGGACCTCCTGTTTCTGTGCATC  
AGACTGGAAAGGCAGATAATCCATCTTTTGATCGAAGAATAGTCAAGGAAGGCGAGCGGAAGGATAACAAG  
GCAGATCCAGAGACGCAAAGGAGGAATTTCCGTGATAACCGAAGGAAGAACAGAGAACTGATAACAACA  
GCAGCAGCATGAGCGACCACCTTCACCAGAGACTTGGCGCAAGCCTGCTGAGCAGCCAAAACCTGCCTCCCC  
AAACGCTGGCGGCATGCGTTACGGGAAAGTAGCTTCAGCACTTGAGCTGGCTCAAGCCTTCTCTAGATCAGTC  
TCAGATTCAAACGTGCCCCGATAGAGTTCCAGTCAAAGGAACCTGCCAGGCCGGTCTCAGATGCCTTTTTTAC  
GGCTAATGGGGCCATCCCCTAGACCTCAAATTAATGGTTATTAATAAATCAACCGTTCTGGGTCAATGGGAAA  
AGGAAAAAAGAAACAAAAAAGAAAGAAAGAAACGGGTGGGGGGGAACAAACGCAATA  
AGAAAAAAGAAGTTGGAACTTTTAGTTTGTTATTTGGCTTTGCTATATGGTGAAATGATTGTATTGAGACA  
GTGATACACGAACAGCTGCTTCATTAATTTTCATGGCGAAGACTTTATGGATTTTTCTC

>trans\_c\_5033 BT026392|Arabidopsis thaliana At5g26790 mRNA, complete cds

ATTCCCATTCCCTCTCTGTCTTCAATTTTTGTAACCTCCGCTCACAAAGACTCTCTATAGACTATAATCTCTAGCC  
AGAGTTTCCGGAGGCGGAGAGAGCAATGGCGGGAACGTCACCGAGATCGGCATTCCGTTTGACGGAATTCCG  
AATTTTCCTTCAGATCCTCCATATTCCGATGGACCGACCTTCTCTCCTCGCTTTTCTCATGGAAGTGGAGCTCCTC  
CGCCTGGTTCCGTCGCTGGCGTCGCGGCCCTTCTCAACATTTCCATCGTTGATGAAGTCCTTTGGTCCGTCACCA  
CCGCCTTCGAATCCGTCGCCTTAGTCTCCATGATCGGCTTCTTCTCGTCTTCTACGGCTGCAACTTGTAATA  
ATCATTCTCGCTTCTCAGCGGCATTAGAAAGCACAGTTTTCTTCTACTGGTAAGAACCGATTCACTTAGTA  
CTTTACTCAGTGTGAGATTTATTCCTTTTTTCTTTTCTAACTCAATTTGTTTATTTCTGGTTGAATTTACGAG  
TGGGGATTGTAAGTAGTACGAGCCCTAATTTGATTTTGATCTTCTCAAATAGTAGTCAGTTCACTAGGGTT  
TTTCTTTCTTTTGTAGAATGTTCTTTATGATTATACATATAGTAATTAATTTAAATTTGAAATACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5034 FJ899654|Jatropha curcas ubiquinol-cytochrome C reductase complex 14 kDa  
protein mRNA, complete cds

TGAGAAAGGCGAAGCCGAAGCCGAAGTGGGCACTGAGAAAAATCAGAGAGCAAGTCTTTTGGGGGCAGGA  
AGAAAGGAGGGAGATCGAAATGGCGTCCTTTATGCAGTTCTCGTTGATCCAAAGAAGAATTGGTTGCTCGT  
CAACACATGAAAGCGCTACCAAACGACTCCGTAATTATGGTCTTCGATATGACGATCTGTATGATCCGTACTA  
TGACGTTGATGTGAAGGAGGCTTTGAATCGACTCCCGAGGGAGGTTGTTGATGCACGCAATCAGCGTTTGAA  
GCGAGCCATGGACCTTTCTATGAAGCATCAGTATCTTCTGATGATCTTCAGACAATGCAAACACCATTCAGGA  
GCTATCTTCAGGAAATGCTGGCACTTGTAAGAAGGAGAGAGCAGAACGTGAATCATTGGGAGCATTGCCCC  
TTTACCAGCGCACCATTCTTAAGCTATTTATAATTTTCATAGTTATTTTGGATGGAGTAAATGTCGTTAAGA  
CACAGTTTCTTCCATGTGTGATGGATTGGAACATCTCTCCATCATTTATTTGTTTTCACTTTTGTATTTATTAT  
CAAAGTTTCATTACCATCTGTTTCGAGTCATTATTGATATATAATAAGTGTGAACTTATTTTATCATCTCGATT  
GGATTTATATGAGATTTCTCCCTTCCCGGCTAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5035 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

AACCTCTGATCAAAAAGATATACCTTGGTTATATTTTCATCTCTTCAACAAGTTTAATAATGAGCATAACGGCCCT  
ATTGTTCCGATGGAGAGAAGAACCTATGATTAGCTTTTCGGGAAATTTCAAACGAACAATTTCAACGAAATC  
TTTCAATTTCTTATTTTACTATGTTCAACTCTATGTATTCCTCTATCCGTAGAGTACATTGAATGTACAGAAATGG

CTATAACAGAAAAGACAATAAGCATAATAACAGCTACTCTAGGAGGAATGTTTTATGCGGTGCTAATGATTT  
AATAACTATCTTTGTAGCTCTAGAATGTTTCAGTTTATGCTCCTACCTATTATCTGGATATACCAAGAAAGATGT  
ACGGTCTAATGAGGCTACTATGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGTCTTCTATTCTGGTTTATGGTTTCT  
CTTGCTATATGGTTTATCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTAAATGGTCTTCTCAATACACAAAT  
GTATAACTCCCCAGGAATTTCAATTGCGCTTATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTCCCTAGCCCC  
TTTTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTACCTGATAAATCCTACCTCTCTATCTATCTCT  
GAGATGTTTGGATTTTCAAAACTTCTACCTGTACG

>trans\_c\_5036 NM\_111143|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C family protein / PP2C  
family protein (AT3G02750) mRNA, complete cds

CACGAAGAACAACAATTCCTGAAATCCCAACCTTTTTACTTCTCAAAACCCCAACTCCTTTTCAGTAAATCCATT  
ATGTGCATTACAGTTTCGTGTGGCGACCTCGATTTTCATTCTGGCGTTCATTTCTTGAGAAATGTTCCGTTGAT  
TTGTTTTGAGGATCTCGGAAGTGTGTGGTGGATTTCTATCGGTTTGGTAATAGAAATTTATTGCAATCATAG  
AATTGAAAGGTTCAACACGGCGTCAGCTGTGGAGTTGCGTGGTTCTGAGTGCTTGGTAGGTCTGGAGTGCTTT  
CTTAACGTTGTTAGGGCCCTCGGAATGGGTTTCATGCCTCTCTGGGGACCGCCACAAGCGTACGATCCCTTACT  
CTGAGATTGCTTCTACTTCTCGTGATGATGGCGTTATTACTCGAAGGAACTCCAAGAGGAAGATTACGAGAAA  
GGGTTCTTCTCCCTCCAATGATTCTTCAAGAGAGATGTCGCTTCATCGAATTCCTGGCCGGATGTTTTTGAATG  
GAACAACTGATCATGCTTCGCTCTTACTAGGCAAGGCAAGAAAGGCATCAATCAGGACGCTATGATTGTTTG  
GGAGAATTTTGTACAAAAGAAGAAACAATATTTTGTGGAGTCTTTGATGGACATGGTCCCTTTGGCCATATG  
GTTGCAAAAAAAGTCAGAGATTCTCTTCTCTAAAACCTGAATG

>trans\_c\_5037 Novel Gene

ACCATCTCCAATCTCTTCTCTGCTCCAAATCCCATCCCCATGGCCACTCAAGCCACCCTCTTCACCCCATCTCT  
CTCCACTCCCAAATCTCCGCCATTTCCATTCCATGGAAGCAATCCCCAACTCTCTCTTCTCTCACCTCCAAGCCC  
CACCTCAAGACCGCCTCTCTTCCCGCTCTCTCAAGGTCTCCGCCGAAGCCGAGGCTGCTGTGAGGCTCCGGC  
CGGATTCACCCCAACCCGAGCTCGACCCAGCACCCCGTCCCCAATCTTCGCGGGCAGCACCGGGGGACTCCTC  
CGGAAGGCTCAAGTGAGGAATTCTATGTCATAACATGGGAATCCCCTAAAGAGCAAATCTTTGAGATGCCC  
ACCGGTGGCGCGGCGATCATGCGAGAAGGGCCGAATCTGCTGAAATTGGCAAGGAAAGAGCAGTGTTTGGC  
TTTGGGGACAAGGTTGAGATCAAAGTATAAGATTAAGTATCAATTTTATAGGGTTTTTCTAATGGGGAAGTT  
CAGTATTTGCATCCTAAAGATGGGGTTTATCCAGAGAAGGTGAATCCAGGAAGGGAAGGAGTTGGTCAGAAC  
TTCAGGTCTATTGGAAAGAATGTTAGCCCTATTGAGGTAAAGTTCACTGGAAAACAAGTGTATGATTTGTAAG  
AAATTTAATCTCTTATGTTCTTATATGCTCTTTTCCCGCTATGTC

>trans\_c\_5038 EU586200|Malus x domestica cultivar Fuji ubiquitin conjugating enzyme 2 mRNA,  
complete cds

CCCCCTCAGCTTTCTCGTCGGAGTGGCCCCCTCCAGATTACCGTCCATGGCGTCGAAGCGGATCTTGAAAGAGC  
TCAAGGATCTCCAGAAAGATCCTCCTACTTCTGTCAGCGCCGGTCTGTGGCTGAAGATATGTTTCATTGGCAA  
GCAACAATTATGGGCCCTCCAGACAGTCCTTATGCAGGAGGGGTTTTTTAATTACTATTCACTTCCCTCCCGA  
TTATCCATTTAAGCCTCCTAAGGTTGCTTTCAGGACAAAAGTTTTTACCCAAACATCAACAGTAACGGTAGTA  
TTTGCCTGGACATCTTGAAAGAGCAATGGAGTCCTGCTTTGACTATATCAAAGGTGTTGCTTTCTATTTGCTCC  
CTTTTGACCGATGCGAACCCAGATGATCCACTAGTGCCAGAAATTGCTCATCTGTACAAGACCGATAGGGCCA  
AGTATGAGACAACCTGCAAGGAGCTGGACTCAGAAATATGCTATGGGCTAGTATGTATTACGGGAAGGGCATG  
AGGGATGTTGCTGTTGGTTCTCATGTATAAATGAAAGTTTTCTGTACAATCTACTATTGTGGGAGATTGAAATA

ATTCTATGTTGTCCAATTTGAATCAACCTGATGCTTTAAGTTTGTGTTTCGACTGATATATATCAATTATATGGA  
ATTGATTTTGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5039 AY039954|Arabidopsis thaliana At2g23980 mRNA sequence

GCTCTTCTTATTGGCAATATGCAGACTTATCTTCAATCTCTAACCATAAGGCTTGAGGAAATGAGGGTGAAAA  
GGCGTGATTCAGAGCAGTGATGCATCACCGCTTGCTGCCGCAGGAACCTTCGGGAGAGAGTCCGGCGTTATG  
ATCAGTACAAGTGGTTGGAGACTCGTGGGGTGGATGAACAAAGTTTGGTTCAAACCTTACCTAAGGATCTTAG  
AAGGGATATTAAGCGGCACCTTTGTCTGGCTTTAGTAAGAAGGGTTCCTCTGTTTGAAAGCATGGATGAGAG  
GCTGCTTGATGCTATCTGTGAGCGGCTGAAACCATGTTTGTTCACGGAGTACACTTACATAGTCCGTGAAGGC  
GATCCAGTTGATGAGATGCTTTTCATTATACGTGGTTCGGCTTGAGAGTGTGACCACAGATGGTGGACGTAGTG  
GATTTTTCAACCGTACCTTTCTGAAAGAAGGTGATTTTTGTGGTGAAGAGCTTTTGACCTGGGCTCTGGACCCG  
AAATCTGGTTCGAATCTTCCATCTTCTACGAGGGACGGTAAAGGCCATTACAGAGGTTGAGGCTTTTGCCTT  
GTCGCTGAAGAGTTGAAATTTGTGGCCAGCCAGTTCAGGCGCCTTCACAGTAGACAGGGTGCACATACCTTTC  
GATTCTACTCGCAGCAATGGAGGACCTGGGCTGCTTGCTTCATCCCAGCG

>trans\_c\_5040 NM\_113644|Arabidopsis thaliana G6PD5 (glucose-6-phosphate dehydrogenase 5);  
glucose-6-phosphate dehydrogenase (G6PD5) mRNA, complete cds

TTTGTGATTGCTTGCAACCTTCAGAGGCCATGTACATGAAGCTTACGGTCAAGAAACCTGGACTGGAAATGT  
CAACAGTACAGAGTGAATTAGACTTGTCTTATCGCCAACGCTATCAGGGTGTTACAATTCCAGAGGCATATGA  
GCGTCTCATCCTTGACACAATAAGGGGCGATCAGCAGCATTTTCGTTTCGTCGAGATGAGTTGAAGGCTGCCTGG  
GAGATTTTCACACCATTGCTGCACAGAATCGACAATGGTGAGCTGAAGTCGATTCCATACAAACAAGGGAGCC  
GAGGTCCAGCTGAGGCTGATGAGCTATTGAAAAGGCTGGTTATGTTCAAACCCATGGCTACATTTGGATCCC  
TCCCACACTGTAAAAAATATTATTTGATTTCTGTTGTCGATGTAAAAAAGGCCTGATCTGCAACGGTGCAGAGT  
GGCATATGAGTTTGGTACTTATCATCGATCCAAAATAAGGATTTAGTGTGGCGTGTATGCGTGTATAAAATAA  
TACCCAAGTTTTACATCCATTTCTAATAATCATAGTTTTTATATCAATATTGAAAAGCTCGTTCTTATTTGATAAT  
GTACATGTTTTTTGTTTGTATTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5041 AC000098|Arabidopsis thaliana chromosome 1 YAC yUP8H12 complete sequence

TCTGGTTATGGACAACTGGAGGACGAACTGGTAGTGCATCAAATAGCAATGTTGGAGGTGGAAGTGGGGGA  
GAATTACAGGGGAACAATGCTTACATGGGTAAATGGCTATGGGGATGCTAATGGAACACTGGTTATGGAAAT  
GCTGCATGGAGATCTGATGGGGGACAAGTAGGTTATACAGGTGGTTATGCCGGTGGACAAGCTCGACAAGC  
CCAACAACAGTAATTTGATGATCTAAAAGTGAAGTGGATTTGCCATGTTCTGTGTCTCCCTGTTTGTTTTATGA  
GAATTGAGATCGATGTTTTCCAGTTGCTTATAAAAAAGTTTTCTTGTTGCTGACTGAAGCAGTGGCCCAAT  
TTGGAACACAATGAGCCTGGTGGGGTGTGCTGAATCCAAGTAGCTTGCAGTATTTAATTTTCTAGTCTAAAT  
AAGTAGCTGTTTTAGAAGTTTACTTGATGCTTCAGTTATTTAGTATTTGTTGCCGAACGTAGTTAAATTTGAT  
CTCTTTATGAATGTCTATTTAGCTGTCTGGAATCAATTTTTATCTTTTACATTGTTTGAGTTGTAACGATTTGTA  
GTCCTTTTAATCATCAGTGGTTTTATGCCTACTACTTATATTCAGATATTTTATGTTTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5042 NM\_001084337|Arabidopsis thaliana MLP28 (MLP-LIKE PROTEIN 28) (MLP28)  
mRNA, complete cds

ACAGAGGGTAGCTTTGGAAAATGGCTCAGATTTGTAGCATCTCGGAGGAGGTGAAGCTCAAGGCTTGTTGGCC  
AAAAGTTCTATCACTTCTTTTGACCAAATGGATGTTTTAAATCAGATGTTTCCTCAAAATATCAACAGCACCT



AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGG  
GGCCCCCGCCCCCAAAACTTAAAAAACCCGCCACCCCC

>trans\_c\_5046 NM\_106177|Arabidopsis thaliana 5' nucleotidase family protein (AT1G75210)  
mRNA, complete cds

ATTGAAGACCAAATACATCATTGAAGTGGTCTCTCAAATTTGAAGATATCGAGGCTGATGAGAAGGACAAAT  
TATCTACTGGACTACATCAGTTAGAGGGTGAACGAGAACGAGTGCGTTGAGTCATCAAGATGCTCTACGGG  
AATGTCACCGACAGTTTCATGGGGTTTGGGGACAACCTGATGAAGACTGGATATCAAACTCTAGATTGCTCA  
TCAAGTAGAGAGATTGCTTGCCCTACAGCAGCCAAGTGACCAACTTGAGCCTATATCCCCAGATAAATACT  
ACAGGCCAAGTGAAGATTTATGCCCCATGAATTTGGCATCATTCCTTTGTGAAAATAGTTTTATTTAAAATTA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCCAATATGTGTCTTCATAAGTTCCTCAAAACAGAGGATTATATAATTAGTTA  
ACATTCTAGTACATAGTTTCACTTGCGCCATTTTAATACTTTAGTCCTGTAATTTCTGTTTGCCTTCTATTTGGTC  
GCTATTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTCCAAAATTATGTAAAAAAAGTCTAGAAATAAAAAGGATTGATTTTC  
TAGTTCTTTATAAAAAATAAACATAAATTATGGCTGTATATTGTTATTATTTCTTTTACTTATAAAATGAATGA  
TTGAGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5047 AJ277062|Beta vulgaris crk1 gene for CRK1 protein, exons 1-8

ATACAAACAAATATTGATAGAAGGCGCTTAATTACACATGCTAATGCAAAGAGCAAAAGTGAAAAGTTCCCCC  
CACCGCACCAAGATGGAGCACTTGGCTTTACGCTAGGATATTCACGTCATATCGACCCAGCTGGTGTTCTCC  
GACATACCTTTTAGCTCGACGTTATTCACTTATTCTAAGGAACCAATCCAAGCCCGGTCTGGTCCACTAGTCCCC  
GGTGCTGGCACTGATGGTCCTCATAGACAGAAGAAGCATGCAAGAAGTAAAGGCAAGAAAATCATGGTCTAA  
AATTTTGATAAGATTGTGGTTGTACTGCCGGTTTGCTGATAGGTGTATCATCAAACTCTCCACGGTTCATCC  
AAATTGGTAATCAAATCAGCCTGGCCTGATCTCAGCTGAGAAGATCATGAATTGAGGTCGTGTAGCATTGATT  
TTTCGGTACTCATAGTCACGTTGACCAGATTTTTTCCCCTCGAAAAGGGTACGAAAATTTTATAGATAAGTTTG  
CTTTTGAAGTGATGAGGAATTTAACAAAGTTATGTATATGTCGATTTGTTTTATCCCAAATTTCTTGTTGAAG  
TTATAGTGAGACATTCTACAGAATAGTGACCAATAGAGTAAAAAATCATTCTTAAGTCTTTGAATAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5048 BT005355|Arabidopsis thaliana At5g66675 mRNA, complete cds

ATTTTCATTAGGTCTTCCTTCATTTCTTTACCATGTTGTCGCCAAGATCCTCTCCTTCTCCCATTTTCGTGAG  
ATTTCTTATAATTCTGATCCTTTCTGTTTGGGTACTIONTACTGGATTTTCATCGTTCCCTCTTGGATTGGTCATCT  
GTGTTTTGTTGGATCTTTTCGATTCTTCTTCAAATTGAGGTATCGTGTTCAATATAAACTTGCTGTTAGAAAG  
TTTGAGAGTGATGAGAATAATGGAGATAATGGTGAGAGATATGTTAAACATTTGAAGAGTTGAAGAAATTT  
CAGGAGGCTGGGGATCCATTTGGTGAGGAGTTTGTTACATTATCCGGTCTTGTACAAAGAGCATTATCTA  
TGTTCAAGAAGTTGCAACGTCAAAGAAGAAGCTTGACAAGAAATATACGACCATGAAGACATGGAAGACGG  
TGTCGAATGTCATTTTGGTTACTGCATTTGCTTCCGTACTGATTTTTTCGGTCGTAGCAGCTGCAATGTCTGCAC  
CTCCCGTGGTGATTGCATTGGGTGCTGCACTAGCTGTTCCAATGGGTCCAGTTGGGAAATGGTGTAACACGCT  
GTGGAACCGATACTTGAACAGCATTAAAGTTGAAAAGCAACTTCTGAGCTCTATGGAAGGTCACAGCTTCATA  
ATTCTAAAGGACTTTGAGAACATTAGATTACTCGTGCGC

>trans\_c\_5049 NM\_129690|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT2G41250) mRNA, complete cds

ACGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGCTCTCTGTGAAAAGCTTGCACTCAAATGAAGTTCGACAATGGC  
GCTAATTGCTGCTAGAACCAAATCTCAAGGACTCTCTACTTTCTCTTAATTCCTTGCTTTCTCGACCTCCA

TTTCCTCTAATGGCGTCCAGGCGGTTGCTCGGCTCCACCCGTTCCGAGGATTGGGGTCTTCATTTTCTTCCTCT  
GCTGTTGCTTCCATGGAACCAGAAACCCTAGGTTCTAGAGGTATCGGGTTTGAAATCTTGGGCGTTAAGGATT  
ATGAGGATTACCGGAGGTCTCTCTATGGCGATATCACTCACAAGGCTTTGCTCGTTGATGCGGTTGGGACTCT  
TGTTGTTCTTCTCAGCCTATGGCTCAGATATATAGGGAAATAGGTGAAAAGTATGGGGTGAAGTACTCGGAA  
GGGGAGATTCTCAATAGATATAGAAGAGCGTATGAGAAGCCTTGGGGTAGATCTCGCCTCAGATATGTGAAT  
GACGGGAAACCCTTTTGGCAATATATCGTCAGTTCTTCCACAGGCTGTTCTGATTCTCAGTATTTTGAAGAACT  
CTACAACTACTATACGACTAACAAGGCGTGGCACCTTTGTGATCCTGATGCTGAGAGAGTCTTTAAAGCCCTA  
AGACAAGCAGGTGTAAAGATAGCTATTGTGTCAAACCTTCGACACT

>trans\_c\_5050 EF614285|Malus x domestica cytochrome b5 (CYB5) mRNA, complete cds

TAATCGCTCGGGCTTTGCCGCAAACAGGGATCCGAACAACACGTTCCCTCTCAGCCATTTTCTCTTGATAAA  
TGGCTTCGGATCCGAAGGTTTCATCTATTCGAAGAAGTGGCAAAGCACAACAAACAAAGATTGCTGGCTTG  
TATCTCTGGGAAGGTTTATGATGTAACCTTTCATGGAGGATCACCCCGGAGGTGATGAAGTATTATTGTCA  
GCAACTGGAAAAGATGCCACAAACGATTTTGAAGATGTTGGGCACAGTGATTCAGCAAGAGAAATGATGGAC  
AAATATTACATCGGAGAAATTGATCCTTCAACGGTACCTTTGAAGAAGATTACATTCCATCACAACAAACACA  
GCACAACCCAGACAAGACACCTGAGTTTGTGATCAAGATCTTGCAGTTTTTGGTCCCATGTTGATTTTGGGTT  
TGGCATTGCTGTTTCGACACTACACCAAGAATGAATAAATAGAACCCTCTGGAGGGTAACTGCATATTCATA  
TCGATTATGTTTCGGTAGAAAAAACGTTCTCTTAATTTTTCTGTTTTAGCTTCTTGTCTTGTGATTTTCATGTGGG  
GGTTGGTCGTAGACTAGAGTTCTCTGGATTGGCTTTTGTATTCTACTTTTAATAATAAGTAAAGCTAAGTGCTG  
TCCTTTTTTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5051 BT010525|Arabidopsis thaliana At5g12240 gene, complete cds

AGCTTCTTTTTGCTTTTCTTTTCTTATTTTTGTTATTCCAGAATTTTGGAACCCAATTCCCGATTTTGTGAGCG  
TAAGGGATTCAAAAGCCTCATTTACCATCACGTAGATCCCAAACAGCTATAGACGAGTTCGAATTTTCATCGA  
CTTCTTCAATTGTTTCCCGTTGTTTCGATCTCGAGATTATCATGCGGAGACAGAGTTATCTAGACAGTCAACGTC  
CAAGTCACCCAAGAGTGAGTTAAATGAATGGCAAGAGGCATGGAATGAAGATGGAGAAAAACCAAGGATC  
AAGGATCTCCCTACATGATGCATTCTGGACGAAGCTAAAGTTAGCTGCTGAGCAGAAGGTGGGAAAGGTTG  
AAGCAGAGAGATTCTTTAACTCATTTCAACAGATACACAATAAACTTGTTAACGAAGAACTAAGTTTGGATGCT  
GCCCCGAGCTTTCTGGACTCATTCAGTTGCAGTTCCACAGAAGAATAGTATGGCTTTTTGCTTCATGGGTCTGT  
ATTTGATATATAATCTTGCTTTATTGACCACCTTTTGAAGAATCTGATTCAATTGCCAATTAAGATTTGGAAC  
AGATAAGTTTTGTTTTGAGGGAATTGCAGACAGTCTTTCAGATAAATTGGGTTTTCACTTGGCCTAAATATTA  
TAAATAGATTTGTATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5052 AJ429636|Cornus mas chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene (partial) and  
tRNA-Met gene

AAAAATTGGGCTAATTAATTATTGGTAGGGCTATACGGACTCGAACCGTAGACCTTCTCGGTAAACAGATCA  
AACTTATTATTATCAAAATGATTTGAACTGTTTCAAAGACCCAACATGCATTTTTTGCATTGGGCTCTTTCATTA  
ACTGTTATAAATAAGTTAGTCTACCATATTTTTCTTGACAGAAAGAAAGGGAGATGGTTCCATGTGCTCCGAT  
TCATTATTTTGATTGCAATCTCGGAGCACTACCAAAGTTTTTCAAAGAAGGGGTTATCTGACGTAGGTATGCT  
TCTGACCTAGATCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAACTT  
CATACACCTTAAAGTTGTTTCATAAGATAGGACGAGAGATCATTTTTTTGAGGTCCTGATACTCATTATGCCTA  
GCATTGAATAGACTGGGTATTCACCTTATCAATATCTCAAATCAATGATGGATTTTTTGTAGTGCCTAAATGGGG  
CACTCGATTTCGGACCGAACTTTTACACTGGCTACTGTTCTTGTGTTTTGTTCCCTAAAAGTAATAGAGTAAGACA



TCGATTTCTCAATAAGATCAACTTTTTTGATTACATGATGTACTTCTCTGAAAAACATTGGCGCGCGTGTAAC  
GAGGTGCTCTACCAACTGAGCTATAGCCCTTGTGA

>trans\_c\_5053 BT010510|Arabidopsis thaliana At3g43660 gene, complete cds

ACAATACCACTTCTCATCAGTCATCTCTTTCGTTTCTTTCTTCAAACCTCATTCCCTTTTCTTCTTTTAATTCCCT  
TCCCAAAAATGGATCCCAACAAATTAACCTAAATAATTTGGAACAACAACAATCTACTCTAGAGATCCAAACA  
AAGGAATTTGACTACTCAAACGCGCACAATGGCTACGCGCTGCAGTACTCGGCGCCAACGACGGCCTTGTCT  
CGACCGCGTCGCTCATGATGGGAGTTGGAGCTGTCAAACAAGACATCAAGGCCATGATCCTCACCGGTTTCGC  
CGGTCTAGTAGCTGGCGCTGTAGTATGGCGATTGATGAATTTGTGTCTGTTTACTCTCAGCTAGACATTGAAA  
TGGCTCAAATAAAAAAGAGAGAAAATTACAAAGATCAAATAATATGGAAGGAGGTGTAGTACAAGGGCAAGAG  
AGCAAAGATAAAGAAAAGCTACCAAATCCACTCCAAGCAGCTGCAGACTCACCTTGGCCTTCTCTCTTGAG  
CAATGGTCCCATTGGTGGCTGCTTCCATTATAAGAAAGTACAAAGTAAGACTCGCAGTGTGGGTGGCATCAGA  
GACTTTAACTCTCGCCGAGTACGGATGGTTGGGTGCCGTTCTTGAAAAGCATACCAATCAAATCAACCACT  
AGAGTGATGGTCGGTGAATGGTTAGCTATGGCTATAACCTT

>trans\_c\_5054 BT004719|Arabidopsis thaliana At2g35290 gene, complete cds

ACACTATTTAACGCTAAAACAATACTATATATCTTTACCTGTTCTAACAAAACCCCAAATGGGTTGTTTGGTCT  
TCCTTGCTACGTCATGAAGAGACGACGCCGAGATCAACCCGACCGCACCTCGGCTACCACCGTCTCCACAAA  
TCCAACCTTCGGCCGCAACGATAGCAGCGATGCGGAGAGTAGTCTAGTGAAGGTTGTGGCGGGAAAAGAGAG  
AAGAGAATTCTTAGTAGACCCTTTTGTGTTGGAAGAAAATCCGTTTCGGACTTTGATCGAAAAGGGAGGAGAT  
TCAGATGACGATGAAGATGGAGATGGAGATCATGGAAAAAAGAAAAGGGTTATATTTGTTGATGTTGATGCT  
ATTTTGTGTTGAGCATTTGCTATGGCTAATGTATAACGATTGTTCTTCTTTGTTTAAGCTAAATGTAGAGGAAATT  
CTTGACTTTTATGCTCAAGATTTTATAGAGGGGATCAGAGAGAGAGATATATAGAATTCAGAGAAACATAATTA  
AAGGTATAATTCAGTCAACATATATATATCACACACACACACACATATGTATTTGCAATAATTGTTAAAGTTT  
ATATAAAGGGTGTTCCCTGTGATGGCATCGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5055 XM\_002892160|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thioesterase family protein, mRNA

GGTACCGTATGAAATTGGGAACAGGAGATTAAGCTTACAGAGTCAGTGGTGATGGAGAAGACAAAGAGATA  
CCTGGAGAAGCTTGGCGATGATGCGTCCGCCATCGATGTCCTTCCCTCAGGTTTTATGAAAACCTCATTATGA  
CTGGTATTCGCGTTGATCTCATCAACCTGGTCGTATCCTTGTCTCTCAAAGTCCCTGCTCGTTTGCTCAACG  
AGAACAATTCCTTGCACGGAGGTGCTTCGGCCTCACTCGTCGATTGTATTGGTTCTGCAGCGTTAAAGACTTTG  
GGCGCTACCACCACCGGAGTCTCCCTCGAAATTAACCTCTCCTACTTAGATGCTGCTTATCTCGATGAGGAGAT  
CGAGATCGACAGCAAAGTTTTGCGCATGGGAAAGACCATAGCAGTAATTAATGTCGAATTGAGGAGAAAAAG  
CAATGGTAAAATTATTGCTCAGGGTCGCCACACCAAGTACCTTGCCTTCTCAAGCAAGTTGTAGTTATAAACAT  
CTTTCAGTATTTTATGCTTGTATTGCCAAACCATATTCCTCTGCTTCATGAATTGACATTGCAAATTACTTTTTGT  
AGCTTCAACTGAAAGAAATGTAACGATAATAATCTTTCTAGACTTTGCTATTGTATTAATTCGTATAATCTGTT  
TTTGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5056 BT004742|Arabidopsis thaliana At1g21930 gene, complete cds

ATCGACAGTCCACAGCATTCGATTCTAGGGCTAACCGTTCAGACGAGACTCATAAAATTCACCGCCCCAGATC  
GTAATTCTATAAGTTCATCGCCGAGAAGCGTCATCCCCGCCGCAATCGCTGTTTGGCTAATATTGGAGTTG  
ATTTTTGCTGCTGTTTCTCAGTAGTAATTGAGTTGATTTTATTGAGGAAGAGATATGGGAAGCCAAGAAAATG  
TTAAACATATTGAGGATTGCTCAGTTCAAATGCGTTGGGTACTTGGGTATTCTCAGTAGCAGGAGCGTTGCT

AGCAATTCCAGTGGGAATAAAGAGGAAATCACTTGCACCCCTTGTCTTTTTTGGCACAACTGGTACTATGCTTG  
ACATTATAATGGGAATTAGTGCTTGTGAAAGAGAACATGCTGAGCGTCAAATGAAGCTATTAGAGGAAGCTC  
AAAACCTGCTCCTCAATCGTCTCTTAACGATTCCAATTCCCATTCTTGATTTTTTGTCTACACGGTTGTTATCAC  
CCGTTTCGTATCGTGCCATGCTTAATGACCTTTTCTCCCCAACTGTGTTAAATGATGAACACTCTTGTGGCATG  
GCCTTTGGCTGGGTTTGTTCAGCCTTCTTTCAAATCACAGTGACATTGCATCAGTTATTGTTACGAAATCGTTT  
GCCTTGGCTTTATTGATTTGCAATAAAATTATTCTTTAGT

>trans\_c\_5057 EU373022 | *Gossypium hirsutum* gland development related protein 30-like mRNA,  
complete sequence

AAGGGAAGCAGAGACAAAAAGGCTTCAAGAGAAAACGAATGGAGACTCCCGAACCTTCCAATTCCCGCAAGT  
ATGGCGTTCCTTTTTATGCTGCCGCTTGGTTCCCTTCAACTTCTCTCAAATCCGAACACCAACCTTACAATCTG  
AAGATCCTCCTCATCAATCCGCTGATGCTGACATTTCCGCCGCCGACAACAAATCAGTTCCATCTCATCTCGCCA  
GTTACTACGTAGCTGCCGCTGGCGGTGGCGGAGAAGGTCGGAGTGGGATTTCCAATGCCCTCATACTCGCTC  
ATTTGATTTTGATTCCCGCTCGCTCTCTGATCACCTGTTGCAAATATGGAAGTGGTTCTGATTTACCTTACA  
GAATGGCTATTCATCCAGCTGGAGATGGAATTATCTGTTCTCTGCCAAAAAATTGCTGCCTGTTTAAAGTGGAT  
ACTGAGAAGGATGCTGGAGATGGGAACTTGGACTAAAACTCTCTCAGGAGGTGCTCAGCCCCCTTGAAGAT  
GTTGGACAGCAGTTATCATTGGCATTAAACAAAGAGGGCTCTTTGCTTGCCACTGGTGGTGAGTACAGGATGG  
CAATTTAAGGGTCTTAAAGTGGCCTAGCTTGACATTGTTCTCAATGAGCCCAGTTCCCATTCTACGGTCAAGG  
ACTTGGATTTAGTCCTGATGGCAAATATCTTGTCTCCTTAG

>trans\_c\_5058 AB238794 | *Arabidopsis thaliana* Cdf2 mRNA for cell growth defect factor -2,  
complete cds

CAAAGAGGAGAATTTTCTTTACTCTGTAAATGGAGGGGAGTAAGGGTTACGTGTGGGCAATTTAGCCGGTC  
TCAACGCTGCTCTTGCCGCCATTGCAGCCAACTTTTCTCCTATACGTTCAATTAGGTACGGTCTGGTAATTGCGT  
TCAACTTGGCAATGTGGGGATGTTATGTCAATAGCTTAAAGCTCTCTCATCATTACAAGCTACAGGGACAAA  
CTTTTCAGCTAACTTTCTTTGTTCTGGTCTAGCTGGTTTCTTTTTGTTTGAAGAAGCATTATCGTTTCAGTGGTTT  
GTAGGCGCCATATTGATTGTAATCGGCGTGCTGATTTGAATAAATCGAGCATTGAGAAGAAGGAAAGCAAG  
CACTGAACTTTGCTCGTAGGTTGTCACCATTTTTTTCGTCTTGTAGCCCTGCCTTTGAACATGAACAAGTTCTCT  
GATTCTTGAAAGAAACGAATGGTCAAATTTGCAACGTGTTTGAATCAAGCCATTTGAAGTTATAGCAGGGTA  
GCTCCGTCAACGGCGGACATTGTTCTCGACGTGCAGGTTCTTGAGATGTGAATTAAGAAGTATCCATCATCT  
GCTCAAGTTTTCTCAGTTTCGATTATAGAATTTATGACTTCTGTTTGATAAGTAATGCTCTTCATTCTTCTACGC  
AAATATTTAACTATTTGTTGGAATGCATTTGAATTTGA

>trans\_c\_5059 XM\_003080843 | *Ostreococcus tauri* protein transport protein Sec23 (ISS)  
(Ot08g03210) mRNA, complete cds

ATTTACGACGATCTCAATTTGTGCAGGTTTTTAATAACAGTCCTGATGAGACTGCGTACTTCAGAATGATCCTG  
AACCGTGAGAACGTTGCTAATTCTGTTGTAATGATCCAACCGTCATTGATTTCTTACACATTTCAATCAGCACCA  
GAACCGGTTCTTCTTGATGTAGCTGCCATTGCAGCCGACAGAATTCTGCTATTGGATGCCTATTTCACTGTTGT  
TATTTTCCACGGGGCAACTATTGCTCAATGGAGAAAAGCTGGGTATCACAATCAACCGGAACATCAGGCATTT  
GCTCAGTTGCTGCAAGCACCGCGTGATGATGCAGATGCAACAATTAAGGAGAGATTTCCAGTACCACGTCTG  
GTGATTTGTGATCAGCACGGCTCGCAGGCACGTTTCTTCTGGCAAAGCTGAATCCGTCAGCCACCTATAACA  
CAGAATCTTCCCTTCCAGGTGGAGATATCATCTTCAACGACGACGTGAGTTTGAAGTCTTCTTGATCATCTA  
CAGAGATTAAGTGTCAATAAAGAACACAGGTGGGATCTCTGCAGTTTTGTAACATTGACTTCTAGTTTGTATA

GTAATTTTTTTTTCAATTTCTATTGAGTGCACATTTTGCATTAGCTCACCGCTTCTTTTAGATTACAAGAAAAAAC  
ATATATGCCTTTTACCCTTTGATGTTTTTAAATTTATG

>trans\_c\_5060 AB018412|Populus nigra PnChlPGK mRNA for chloroplast phosphoglycerate kinase,  
complete cds

ACATAACAATACTTCCCCAATTCGCTAATTCGCTTCCTTCTCTGTTTTTCACTCACCCAACAAAACCCACTTCACT  
CTTCTCCTCTGCTTCATCATCATCATCAATGGCGTCTGCAGCTTCCCGTGCCACTTTCCATCTCCTTCCCACCACA  
TCCTCTTCCACCTCTTCAACCCGCTCTGCCCTTCTTCAATTTTCCCATCTACCACTTCCTCTTCTCAATTCGCCT  
CCGTAGCGCCGCCACTCCTCGCCTTGGCTTGGCGTGCAGACCCACTTTTCTCCCTCCATGTAGCTTCCAAGAT  
TCGGTCGTTTGGGGGGAAGGCTTCGAGGGGTGTGGTGTCCATGGCTAAGAAGAGCGTTGGGGATTTGACTG  
CCGCTGACTTGAAGGGGAAGAAGGTGTTCTGTGAGAGCTGATCTGAATGTGCCTTTGGATGATAATCAGAATA  
TTACAGACGACACTAGGATCAGAGCTGCTATTCCAACAATCAAGCATTGACGGAGAAGGGAGCTAAAGTTA  
TTCTATCCAGTCATTTGGGACGACCAAAAGGTGTGACTCCAAAGTACAGCTTGGCTCCTCTTGTGCCTAGGCTT  
TCTGAACTCCTTGGCTTTCAGGTTGTGAAGGCTGATGACTGCATTGGTCCTGAGGTTGAAAAGTTGGTTGCTTC  
CCTGCCCCGAGGGTGGAGTTCTTCTCCTTGAAAATGT

>trans\_c\_5061 BT004553|Arabidopsis thaliana At5g07960 gene, complete cds

ATATCGAGGCTGAGTCGTCGAGGCTCGAGAGCCAGTCAAGAGATGTCGACACAAGCGAATGATCCACGGCA  
GCCGTGCGCGGTGAAGCCTTTTGTGCTCCGGCAGTGAATCCGCAAGATCTCCCCGTCGATTATTCCGGTTTCA  
TAGCCGTCGTTTTCGGCATCGCCGGTGTATGTTTCAAGTACAAGCTTAGTTCGTGGCTGGCAATCATATTTTGT  
GCCAATCGCTTGCGAATATGAGGAATGTTGAGAACGATCTCAAGCAGATTTCCATGGCCATGATGTTTGCTA  
TTATGGGATTAGTGACAAATTATTGAGTCCTGCGCGACCGGGAACCAAAAGTTAGACTCTATTTCAAATGAT  
AACAATGTTTGTCTTTAAGTTATCTTAGGGGCTCTTTACCGTTACCGTTTTTATATTATGATCTCAAGTGATA  
CTGTGGGCAGATCCAGATGTGATGAGGACAAATTTAAGAGGTTTACACTTTTTTCTCTTTAAATTCCAAGTT  
AGTAATTTGCACGTACATCAACTATGTAATTATTTACTCTTACTCTCGAGTAGATATCACAGTCGTTTCATATTCT  
TTTATAGACAGATAGAACATATAGAACTCCACGTAGAACAAGTCTAATCATTGGGATCTATGAGATTTTCTTT  
AGCGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5062 EF551158|Vitis vinifera NDR1/HIN1-like protein mRNA, complete cds

ATTTTGCTATTTCCCATTTCCGATCAAATTTAAATTAATGTCTCTAGCACACGTGAAATCCCCAAACACTGTG  
CCAATAAGCAAGAAGTGAAGGTTCAAAAGCGCTACAAGAAGCTGTTCTTGGAGTATCGGCAATTTTATCCAC  
CATTTCTTGCTCATACTGCTTCTCTGGCTCATCTGCGTCCCTCGAAGCCAGAATTCAGGGTGAAACAGGCAG  
ATGTGTATCAGCTGAACCTCATAGACGACCTTACCTTCTCAACTCATCCATCCAACCTTACTCTGTCTCAAAAA  
ACCCTAATCACAGGTTGGGAATATACTACGACAACCTTCAAGTGTACGCCGTTTATAAGGGGCAACAGATAAC  
TCTTCTACCTCCCTACCTCCTTTCTACCAGGGCTATCAAGAAGCTAATTTGCTCACCGCTTTCTTGGCGGGCAG  
CCGCGTACCGGTGGCTCCTTCTTTGGATATGAAGTAGGACGGGATCAATCGGCGGGGCGGTTCTGTGCTCAA  
TCTCAAAGCCATGGGAAGGCTCCGATGGAAGGTGGGGAGTTGGGTTTCTGGAGGCTATCGGTTTAATGTGAA  
TTGTGTTGCGGTGATGCCGTTTGGGCCTACGCTCCCCACGCCTCCACTCACCTAAACCAACCCACTCGCTGCT  
CTAAACTCTTTAAAGTTTCTAAATTCCAATTCCAAT

>trans\_c\_5063 NM\_001065602|Oryza sativa Japonica Group Os07g0185800 (Os07g0185800)  
mRNA, complete cds

AATCATCAAATCGAACACCCAACCAGCAAGCAACTGTGAAGGAGGAACCCCCATTTCTTCTCAATGGGACACA  
AAGAGGAAAAAGAAGCGAAGAAGGAAGCTTTAGAAAGTATTTGGAGTCTAATGGGATTGTTGATGCTCTCA

CCAAAGTTCTGGTTGCATTGTATGAGCAAAATGACAAGCCTTCCTCTGCTCTCGAATTTATTCAACAAAGACTT  
GGGGGTCCATCTAAAGCCGAATATGAGAAGTTACAATCTGAGATGGCAGATTTGCAAGTCAAGTATGATGAG  
CTTCTAGCTACACACAAGGAAACCTGTAAAGAGCTGGAAGAACTTAAAAGCTCACATAACATCACTGTAACAT  
CTACCAAGGATACCACTGATGATGAGGATGAGAATGATAAGCTATGAAGGACGAATGGAGCTGCACATTGGA  
GGTTGATGGATTTTCTGTATAGTAGCCAAGAAAAAATTTGATATCTTATTCGTTAAAGGTATGTGAAGACCTT  
ACGCTATCCATGTTTAAAGAGGAAAAAGGAAAATATTTGCTAAATAGTTGAATTGTATGAGGTGTGTATCTAT  
CTTTTAACTTTGATTTTTTGAACAATGTTTGC GTTGA AA ACTCTC ACTTTAGTATGCCAGTTATGTGGTGATGTTT  
TTAATGTGCATTTGAAAATGTAAC TAACGATCATCTTTGTTGC

>trans\_c\_5064 NM\_128905|Arabidopsis thaliana 50S ribosomal protein L28, chloroplast (CL28)  
(AT2G33450) mRNA, complete cds

AAACGCTCTTCCCAATTTACAAAGATAAACTCCATCAGTAACAATGGCAGCTTCCGTTGTCTTTGGCTTCACGC  
CGGCGGCCACTTCTGCCGGTGTAAATGGCAACCTCCTCAACCAAACCTTCACTTCAGAACTAAACCCAAATCCGAT  
CTAGGGTTTCTCGTTCTCAATTGAGCGGCATCAAAATCTCCTCAACCACTCACTCATCTCCCCCTCTCCCATTT  
CTCCTGCTCCTCTCAGACCTTCCCTTCAACCTATTGCTCGTAGAATTTGTCCATTTACCGGAAAGAAAGCAAATA  
AGAAGAACTTAGTTTCCTTCTCCAACCACAAGACCAAGAAATTGCAGTTCGTGAATCTTCAATACAAGAAGGTT  
TGGTGGAAGCTGGTAAGCGTTTTGTGAAATTACGTTTGTCAACTAAGGCTTTGAAGACTATTGAGAAGAATG  
GACTTGATGCTGTGGCTAAGAAGGCTGGAATTGATCTTCGTAAAGAATGATATGGTAATTCATGACACTTCAT  
CTTAACTCATTTAGAATTTGAGGAAGATTTGTTTGTATTCTGCTGTTTTTGCCTCTTCTTGCTTGCTAGTCATCT  
GTTTATTTTTCATAGTCACAGTATTCTTGATCTTTGCTTTCCTTCTCCATTTGGCAATGAAGCTGAAAAATCCA  
TCCAAAAA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5065 NM\_001068695|Oryza sativa Japonica Group Os08g0500800 (Os08g0500800)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTAAACCAACTTGTATACTATATATAATACATAGTGACACGTTTTAGTT  
TACAGTTGAATGTGTTCTTCAATCTACGAGGCATTGCATGTTTCAAGGGTAGATTTTCGAAGCCACAATAACCC  
AGGATCATTACGCTTCAGAACAAAGGAATGTTTCTGCCTTCCCTATTTTCATCTAGCAATGCATCTTCAATGAAACC  
TATCAAGAACAGGATCTCCAATGCAGCTTTATAGTTGGCAACATTCTTTTGGATAATGGGATTAGCCTTGCGAA  
GCTTTCTGTATTTCAATTCATCAGGGTGTTCATTACATTCTTAACAATCTGGAACAGAGTTTGAACAACTGCTG  
AAGATTCAGAAGGTTTAACTTCAGCCAGCAGCTTTGTGATAGCCTCACGCAATCGGTTGCAAACAACAGAAAC  
AGAGTCTTGATTCTTTGAATTTCTTGGTCATCAGGATCGAGCTGGTCAACAGCCATTTTAGAGGAATCCACCT  
GATGTACCAAGCCTTCATCAGGGTCAGGCTCTGTCAGCATTGGTTCCTCTCCTTGAATGGTATCATGCTTTTTAC  
AGTTTATGCTTAAATGGGATTGGTTTGTCACTAAGCCAGCTTCTAAACAATCAGCCTCGTTGTGTCCAGTGCC  
CTTCAGACCCCAAAGTGTTCACTTTCTCT

>trans\_c\_5066 L00936|Gossypium hirsutum 18.2 kDa oleosin (MatP6-A) gene, complete cds

AACCCGTCATTCACTGAAAGGGCATTGTAGATGGCAGATCCTGGCAAGGTCAAGACTTAAAGTTTATATGG  
CTGTCTAGTGACAAAGACCCTCATCGCACTTCTCGGACACATCACGAGATGCAGACATGGAGCCTGAAAACG  
AAGCAGAAATCATTTCTTTAAACGAAACCCCATGTCACAAAGAATCCCAAAGTCCAACACAAGATGACAGCGA  
CGAGCCTTTGAAACAGGTAAGGTTTCGGCAGTGATAGAAAGAGAGACATGATTGAAGCATTTTTATTGTTTA  
GGAGGCGTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTCTTTTGGAGCATTTTTCATGCCGAGTTAAAAGTGTAAT  
TAATAGATTTTTCTTTTTCTATTTAGTTAAGGAAAACCTGGTTTAGCAAATGTGAAAAATTTGTTTTTCGATTTT  
CATCCCCTCCCCCTTTTACTGAATTCATGTATAAAGAAAAAAGAGTCTCTGATTCCAGACTGCCACCAGGGAT  
GATTGATTAAGATAGTTGATTGAATCAAAATATTGTTTTAGGTTTTTATTAGGGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAA

AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCC  
CCCGCCCCCAAAAAATTTATCAATACCCCAACCCAG

>trans\_c\_5067 Novel Gene

ACGGGACGTTCTGTCAATCGGGGGAAGGTTTTTGGTGACAAGACCTGGAGATATCAGAAGTGAGAATGCTGA  
CATGAGTAACGAGAAATCCTGTGAAAAACACGATCGCCTGCCAGTGGAAGGCTTCTGCGTTCAGTCAATCTA  
CGCAGAGTGAATCGGTCCCTAAGGAACCCCGAAAGGGCTGCCGTCCGATGGGTACACGAAAGTGACGAAG  
TAGCTTTGACTACAGAACCATGCCTGTCTGTTGGAGCGAATAGGATGATCGGGGGCTCCCGTCCCCCTCTTC  
CCCTCACTCTCCTTCCCGCTCCGTGGGATTACCTTGAGTCATCAAAGCCTTCTGACTCGGCCTGGTCCGGTC  
GCCCTACGCGACTGGCATAATGCTTTGGCGAAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGGCGGA  
CACCTTTTTTTGTTATCTAAAGGCTTTGACTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGGCTC  
CGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTCGTTTTCAATGTCTCGTTCAG  
CCTCACGAGTCTACAAGCCTTCTCATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGGAGGGAAGGGATGCATTTATTA  
GATAAAAGGTGACGCGGGCTCTGCCCGTTGCTCACTACATTCA

>trans\_c\_5068 FJ362596|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L27A (RPL27A) mRNA, complete cds

CGCTCGCCGCTCCCTCCGTCTCCGAAACCTAATTCTTCTCTAGCCGACGAAATGACGACCCGCTTCAAGA  
AGAACAGAAAGAAGCGCGGTACGTGAGCGCCGGGCATGGTCGTATCGGCAAGCACCGTAAGCATCCTGGT  
GGTCGTGGTAACGCCGGAGGTATGCACCACCACAGAATCCTCTTCGACAAATACCATCCTGGTTACTTCGGTA  
AAGTTGGTATGAGGTACTTCCACAAGCTCCGTAACAAATTCTATTGCCCCATTGTAAACGTCGACAAGCTCTGG  
TCCCTCGTACCTCAGGAGGTCAAGGATAAGGCTTCTAAGGATAATGTCCCTTTGATTGATGTTACTCAGTTTGG  
GTATTTCAAAGTTTTGGGTAAAGGGGTTTTGCCTGAGAACCAGCCCGTCGTTGTGAAAGCCAAGCTCATCTCG  
AAAATCGCAGAGAAGAAGATCAAAGAAAATGGTGGTGCGGTTGTCCTACGGCTTAGGTTTATTGGGTAAC  
TTTAGTTATGATTTTGTGTTTGAATTAGTTTTGATATCGCTTGTGGCTTTATTCGAAGTATTGGATTAATGTTATC  
AAACCTCGTGTTCATTTTCTTCACTGTGAACCTCAGTCCGATTTTGAATGTGTTTCTTGAATTATCATTTTTCTT  
GAATGTTATACATTGTCAATTTAGCGCGATCGCGGTCC

>trans\_c\_5069 NM\_120451|Arabidopsis thaliana PAN domain-containing protein (AT5G03700)  
mRNA, complete cds

GCCGGGTGATACCGACCCTTCATCATCTTCAAAAAACCGCCCAATCCCCCTCCGCCGCTTCCATTGCCGGTAAC  
TCACAAACCCAGAAATCGCCACAACGATTCCAAACATTCCGCCAGAATTCCCAGCCCAATCTCGATACCAACT  
TTCGATTTTCGACCTAGCCTGAGCTTTCGGACTTTGAAGTAGCCGGTTTTTCGTCCCGTCGGCCACCGCTACCAC  
CGCTCGGACCGGGTAGTCGACCAGATAGCAGAACCCGGTCGCGTTGTAGTAGAGCGAGCCCCAGCAAGAGC  
AATTGGTTTCACAAAAGCTCTCGCATTGGTCCATGGTGAACCCGGTTCGGTAGCTCATTAGTTCTTTGAACGGT  
AATTCTACTCCGCTCCTTCTCAGAACCCAAAACCTCGCTTTTTGCTACCCCGACTCCGCAGAAGTCGCCGGAATCC  
GATGGAAGACATTGTCCGGAGGTGTAAATCGTCCGGTCGTCTAGACATGAGCAACCAGAACCGGGTTCGCAT  
AAACCGTATGAACCGCAGGGACTCGGTAGCTCACACTGTTCCGATATTGCTTCGAAAACCAAAACCCATTAG  
AACCTGTTGAAAGATGAAGTATGGTTAATAAATTTAATGGTTCAATAATACAAATTTATTTTAATTCTATAAG  
AAGCTTTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5070 XM\_002882698|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata beta-Ig-H3 domain-containing  
protein, mRNA

AGAGATGGGGAGATTAGTCTCTGAGGGCTATGTTCTTACAGTTCTCGTCCGAACGACGAAGCTATGGCGAA  
GCTTACAACCGATCAGCTGAGTGAACCAGGGGCACCGGAGCAGATCATATACTACCATGTAATCCCAGAGTA

CCAAACGGAGGAGAGTATGTACAATGCAGTTAGGCGATTTCGGGAAAGTTCGATACCAAACGCTCCGGCTTCC  
ACACGCTGTCATGGCTCAGGAGGCTGACGGGTCGGTGAAATTCGGACAAGGAGAAGGGTCTGCTTATCTGTT  
TGATCCTGATATATACAGATGGTCGGATATCTGTGCAGGGGATTGATGGAGTAGCTGTTTCCATTGGAGGA  
GGAAAAAGCTCCAGAGAAGAAATCAAATTCAGCTCTTAAAGTTGCCACTAAACCAAGAAGAGGGGAAGTTGAT  
GGAACCTACATGTACCATGCTTGGAGCATTGGACAGGACTCTCATTTCTCCTCATGCCTATGAAAAATTTAGG  
CTATAAGATGGGGCTGTGTGTGTAAAGATGATTGGGGAGCAAGAAAATGTAGAAATTTTCTCGAGAAAATCC  
GCACAGGATAATTTGAGTTTCTTTTTCTTTTTTTCTTTTATTTTTTACATTATTAGGAATACACTGTAATTACATA  
TATTATTTTTTGTTAATTTTTATTTTTTGAGGTTAAAAAAA

>trans\_c\_5071 NM\_113013|Arabidopsis thaliana ACA9 (AUTOINHIBITED CA(2+)-ATPASE 9);  
calcium-transporting ATPase/ calmodulin binding (ACA9) mRNA, complete cds

GACTGGTCATTTCTCAGTCTCAGATACACGGCCACCACGCACCAATTTGGCTGCCATTGCCTTACGTAGTTACG  
TGCATTCGGTTTTCAAGCACCAGTCCCACCGTTTCGCTTCTCTATTGTTTCCTAAATTTGTTGTAAGCGTCGGTTG  
ACTGTGCGTATGTAAGTGTGCCATCTCTTTCGACGTAATTCATCTGAGCCGAGCCAAAAATGACGTCTCGT  
GATTCTCCAGTTCCGGCAATGGCCTATTACCTCTTACTGTTTCCACGTCCGGCCGACATCACGATGTTGAGGG  
TGGACTCTCCTCCGGCAAAAGCATTGACGAGGAGGAAGAAGAGGGCTGTATCGGATCCCTTCGACATTGACAA  
CACCAAAAATGTCCCTCTCGAGATACTCAAGCGATGGAGGGTAATTATCTTCAAATTCGTTTTCTGTGAGT  
AATTAGATGATCGAATCTTTGTAGAAGAAATAAAAAAGATGATCAGAATGAAATTAATTATAGATATCAGATA  
ATTGGATTTACTATTGATTTCAATAAATTTAATGAGAATTAGAAAAATAAATTGTAAATTCCTACTACTTTATT  
AGCACGATGAAAAATTGTTGTTATGATTATTACTATTCCTTGTTTCAAATGGAAACCAATTATTAATTATTC  
GCTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5072 AL161512|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 24

AAATGAAATGGAAATGTCTTTTAGGTCCAAAAGAATGAGATGTTCAAAAAATTTCAAAAAGAAAAACAAAAT  
ACTTTCCTCTCATATTCCTCTTTACCTGATTCTTAAAAATCTCACAAATTATCGATTTAGAGAAATCCGGACTGCT  
TTCTCTACCTTGCTCCGCCATTTCTCCCCCCCACCATTTCTTCGTTGCTCGGATCAGATTTCTTCAACTCTAA  
CACTCCATTATATTCAAGTTCAGACCAAAAGTTTGAAGGTTTAGCTTCATCGAATTGTGAATTTTAAAGTTGAA  
AAGGAGAGAATTCTTTTTCTTTAGTGTATCTATTGCTTCTGGAAATTTAGCTGATTAACAATGTCGGTCACGG  
CGGGGGTTAGTGATACTGTAATTGCTGTTAGAGATAAACTTAGAGGTAAAATTGGACAAACAAAAGTTAAGA  
GGTACTGGCCTGGAAAGGCTCCTGAGTGGGCGGATGATGCTGATGAAGATGGCGATATTAGGATGGCTAGG  
GCAGCTGCTCTTGAGAAAGCATTTCTAGTCAGGAAGATTGAGATCTATCTAGGAAGGATGACCCTAGGTTAC  
GCCGTCTAGCTGAGAGTAGGATAGATAATCGGGAAGAGATTAGAGCTGATCATCGACGTATTCGCAAGCTG  
AGATTGTTTCAACCCATGGAAGAGGAAACTCGAAGCAGGA

>trans\_c\_5073 Novel Gene

TATTTATTTGCTTGTGTTTTATTTCAATTTGTAACATATAACCCTTGGAAATAGGTAGAAATTTTAAATTAATATG  
CAAATTGTTTATGTTTCCACCAAATGTTCTCAAATGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAAGAAAAGAAA  
AGTGGCTAAGCATAGCTTAATTAGTAAATATCAATTATCATACAGTTTTTGTACTTTGCTTCTACCTTTATA  
GTCATTGATTTTTCTAAAAAATAATTATTTATTCAATAACTTTATCGTTATCATCGTTATTATTAATTATAAAAGA  
AAAAGGTTGGTTAAGTTATATTTTTGTGAAAATTTGAATATCTCACCTCTAATTATAATATATGTTTTTATCAA  
TTGAGGTAGAGTTACATCTGTCTATAAAGGAATTTTTTGAGGTAGTATAATGTAATTTTTGTTTATATTTAG  
AGGAGTTTTTTTTTAGGTACAATAATGTAATTTATTTGTTTCTTATCCGTTTCTCATCCACAAGTACACAATACCG  
ATGATGACGAATGCATGTACGCTTTTGTACTCAAGGGAAAAGCCAACCGAACAAAAACAGTTTCCATTTATT

TTTATTTTTAAAAGAATGAACTACCATATAATTTTGAAAACCTAAAATGATAGTGACATTGACATACATAAGGG  
AGTCCCGTGAAGGAGAATATTTAGAT

>trans\_c\_5074 Novel Gene

AGAGTAAAAAACCACAAAATCAAGCGGAGGCCGCCGCTTCATACACTCCATCGGTGAGATTTGGAATCCAAA  
CTCTGCAAAACCCCTTCGCCGCCGTTTCTCTCAGATTCACTTAAGAAATGGAATCCCAGATCAAACACGCTGTG  
GTGGTAAAAGTAATGGGCCGAACGGGATCAAGAGGGCAGGGGACTCAAGTGAGAGTCAAGTTTCTTGACGA  
TCAGAATCGTTACATCATGAGGAATGTCAAGGGACCTGTGAGGGAAGGTGACATTCTTACCCTTCTGGAGTCC  
GAGAGAGAAGCCAGGAGGCTGCGTTGATGATAGTAACGTCGTTGCGGTTACTGATGATTATCCTTCTCATCAT  
GCACTCTTAAGAATAGAATGATGGCTGTTATCAATTTCCCTCTTATGAAAAATCTGATTTTGGATACTGTTATT  
TTGTCTCGTACCTTTGATTCTAAGATAGAATGTTTGAAGTGGACGGATAGTTTATTTGAATTGTCAAATATTTT  
GGTCTTACAAGGAGTTTCTGTGAAAAATATATTGAAGTTTCGAAGANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
GGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACTTAACCAATCCCCCAAACCCC

>trans\_c\_5075 XM\_002882379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L22-2, mRNA

ACTGGGCGGCCGTCGATATCTGAATCCTCAACTTCCCTTCACTAACTTAGATTTCTTTAATCGAAAATGAGTCG  
AGGAGGTGCAGCCGGTCCCAAGGGGAAGAAGAAGGGAGTAACCTTCACAATCGACTGTTCTAAGCCAGTGG  
AAGATAAGATTATGGACATTGCTTCGTTGGAGAAGTTTCTTCTCGAGAGGATTAAAGTTGGAGGCAAGGCTG  
GAGCTCTTGGGGATTCCGTCTCTGTTACTCGCGAGAAGAGTAAAATTACCGTAACTTCTGACAGCAACTTCTCC  
AAGAGGTATTTGAAGTACTTGACTAAGAAGTACCTGAAGAAACACAATGTGCGAGATTGGCTACGAGTGATT  
GCTGCCAACAAAGATAGGAACGTTTACGAACTCAGGTACTTCAACATTGCCGAAAATGAGGGAGAGGAAGAG  
GATTAAATTTACCAATTTAGACATTGTATTCAAGGAACAAGTGCCTCTATACGATGCAGGAATCTATCACTGTT  
TTTGTTACTAGTGTTGCATGTGTGATGCTCTCTATTTTTATTGAACTAAATGCAGTTTAGCAATTTTGTTTTCTT  
TGACAGACCTAGATTGCTGTTATTTTTGTGTACATTTGAGTAAGATCAACAATTTTCACTTTAAGTTACCCA  
TGTTTTTCACTTGTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5076 Novel Gene

GGGAGCAATGCTGGTTCCTTGATTGAGCAATCTGTCTCAAGCAAAGACTTTTTGAGTGAATGCTTGTCTCTGA  
TGACCATTTGATTAAAGAGTCTGCTGAATGGGCTAAGTTGGCCATCAGCCGTGCCATTTCAATTTAGGCTTCTG  
CTGGTTGGCAAATCTTTTTTTCACATTTGAAGTCCTTGATGCATATGGGTGTGTTGAGTTGGGGTCCGGATT  
GCATCTTACAAGTCTTCACTCTCAGGACAACGGGAAGCTGTTCACTTCTAGTTGTCACTAACTCTGCATCATCG  
TCATCATGAAAGCATTGCTAACTATTGCATTAGCAGCATCAAGTCGGGATCTTGTATGTCATGGTAGAAGTGG  
GAAGAGGGAGCGTCCATTAGCGCCCCCAGTTCGTTTGGCTTGGTCAGTTCCAATTGTATCTCTGACTTGAGAT  
AGTGTGTCCAACCTAGTGGGGTTTGCCATCATAAGATTTTGGGTTGTGAAAATGGATAAAGTACGGGGAGTG  
TTCATTCATTCTTCTGCCCTGCTTAGACACCCTAGTTCCTTTTTCTCTAACTTCTACTCTAGTGGTTCTAGTT  
AAGGACTTGTTACCCGTTTGTTATTTATTTTTTTTGCAAAAGTCGTAGTGAATTTTCATGTCTGGTCGTATTT  
TGGTCTTTCCTGTGAAATTCACCTCATATTTG

>trans\_c\_5077 FJ899656|Jatropha curcas ubiquinol-cytochrome C reductase mRNA, complete cds

AACTCTCAACTTCAACACCGTCGCTGGACCTTTGCGAACCTAACTCGCACAGATCAGGAGGAGGGAACTTTA  
GATTAGCATCACCATGAATTCTGCAGCGCGTCGGAGCGGAGGAGGCCTTCTTGAAGGGTTCTACAGAGTTATT  
ATGCGCCGGAATCCGTTTATGTCACCTTCATTATCGCCGGCGCTTTCGTTGGAGAGCGGGCTGTGGATTATG  
GAGTCCAGAACTCTGGGAATACAACAATGTTGGGAAACGGTACGAGGACATTTCAGTTTTGGGTCAAAGAC

CATCAGAAGAATGAGTCTCCTTGATTATTGGTTATGGCCATTTTATTGTCATAAACAACGAGTCATCTGATTTAT  
ATTTTTTGAATAAGTTTTACATGTCGGATTTAGCCACCTTATATATTGACTTTTGAGCATGGTGGTCTTTTGA  
TGTTGGTCTTGTTATTCCTGTTCAATTATGAAATTACCAATCAAATGTTCTGTTTTATCAGGCTATATTACATA  
ACAAATCGTGGTGGGTGTATCTATTTTCATTGATATTGAAGCTTGATCTCGATCTGCTGCCTTGATTAACCAG  
AAATGCCATGTGAAAGAACAAGCCATCAAGAAGTTTCTTGATGGAATTTATGTGGGCCCCCGGGCCCCGA  
AAAAGATTAACATTCCTGACACCCTAGGGGGGGGCCCC

>trans\_c\_5078 BT015685|Arabidopsis thaliana At3g09860 mRNA, complete cds

AGATAAGCCGATAGGACCGAAAACCAGAAAGTTCTGAGAAGCCAAAGCGAGAGATAGAGAGACGAAGGAA  
TGGAGAAGTACTTCGGAAATGCTTACAGAGGCGACCCTGGAGTTCCACACACCGACCCAGGTGTTTTTTCAA  
CATTTGGATTGGAGCCGCCGGGTTTTCTGTTCTTACATGGTTCAATCCCTACATGTGGCAACTCTCCAATCAATT  
CAATTGGCATGACAAAGCGTTTTTGTGAGCAATACCACTGGAAAAAGGCTCGTGAAAAGAATCAGCCATAC  
CAGTTCAAGGTACGATGTTCTATTTCAATTGAAACAACACGTTTAACTTTTAATATCTCATGGAATGG  
CTATGTTGTTCTTATAAAATTTCCATTATTGCAGTGGAATCAATACATGGACAAGGACCACCGGGATTCTTATT  
ATTTTAACTGGCCTATTTACTTTCCTTAGGTTTCTGATTATGTAAGAAAAGTGTGCGTGACTGCTTAGTTATTTT  
CTTCGTTTGGGTGGCAAAGACAGATTACTATTGCACCAAGACTTGAAGGGTTATGAATGTGTGGAATCATATT  
TCTTTTGGCTCGTTATTCAAACGGCATGCATGTGGTCATTCTATACTGTAGAAATGATTTTGACAATGGAAGAA  
CCGTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5079 BT003147|Arabidopsis thaliana At1g36050 mRNA, complete cds

ATCAGTCAAGTTTCAATTTTCTGGGCTGCTTGCTTTGCAAACAAGCGATTATAATGTAAGTCACAGAATAAAC  
AGATTAGCTTTTGGCGACCACTATGATGGCTTGGTAAATCCCCTTGATGGTGTGCATTGGGAATATAATGAAC  
AGAACGTCATGCACCACTACTTTGTCAAGGTGGTTCCAATATATATAAAACATCAGAGTCTGACTGTTTCAT  
TCAAATCAGTACTCTGTAACGGAGCATTTTAAGAGTGTGGAGTTCGGAAGTTCTCAGTCTATACCTGGAGTCTT  
CTTCTATTATGACCTTTCTCCTGTTAAGGTGACATATACTGAGGAGCATGTTCCATTTTACACTTCATGACACA  
CATTTGTGCCATAATTGGAGGTATTTTCAGCGTTGCAGGAATTGTAGATGCATTATATATCACGGTCAAAGAA  
AAATGAAGAAGAAGGTGCGAAATCGGAAAATTTGGTTGATGTCTCAAGTTCCCTTTCACGTCAGTCCACTTTTG  
ATCAAGCTGATGCAAATTCATATGAGAATCAAATACAATTCTGTCCATCATTGGGTGTTCTGAAAGTAGTAT  
TATTTATATTTTCATGGAATTAGATTTCAATTCCAAACAGAGGTTGAAATCATGATCTCTTTGACATAACACCACA  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5080 NM\_001050791|Oryza sativa Japonica Group Os01g0750800 (Os01g0750800)  
mRNA, complete cds

GTTGAGTCACAAGGCTAGGTGAAGGGACAAGCGAGGGTACACTTGAGAGAGAGAGAGTTTGAAGGAAGAG  
AAGCGGAGAAATTCGAGCAGAGCGACAATGGGTGGAGGAATGGGAGCTACAAGAACAATTTATTGAGGA  
TTGGAGTACTGCCAGAGAAAATCTTGAGTATAACTTCCGCTGGACTCGCCGGAATTTAGCGATTGTGGGTATC  
TTCGGAATCGCCGTTCCCTATCTTGTTTACAAGGGCATCGTCAGAGAATTTTCATATGCAAGATGAGGATGCAG  
GCAGACCATACCGGAAGTTCTTTAAGCACCTCATCAAGGCGCGGCAATCAGTGTTTTTAAGTAATAAACCTT  
TCTCATCTATGTGAACACTCAACCCTTCCAATTTGGATGGATTATGAGACAATATTGATCTGTGCAAGTTTATG  
ACACTTTGTGAATGCTGAGTATTTTCATTTTGAAGTTCTGCCTTTCAAATTAATCCTCAATACAGACCATTGTTG  
GTTTTGTTTTGTTCTTTTTCTTAACATGGGGTGCTGTTGGGAGAAGCCCTTCACTTTATGCTCTTTATATATA  
ATATATATATAGAGTGTCAAATAATGAAATACCAATGATTGTAATTAGCTTCGTGGTAAATGCATATCTCAGCT  
CCTCTTTGGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_5081 NM\_001053626|Oryza sativa Japonica Group Os02g0550000 (Os02g0550000)  
mRNA, complete cds

TCTATAAGCAATGCTACTGAATTTGGCCAAAATAGCGTGGTGGCTGGTGGTAAAGAGATTGAAATTATTGATT  
TGGAAGATGACTCCACTGCCGAAGTAGACAAGACCTTCCATAATGCGGAAAGGAAGAGCGAGACTGTGTTTA  
CTGGATTGGATGGCTTTCCTAACACGCACAAAATAATGGAGATATGCCTGATGTTCAAGATGGCTATGGACT  
TATGATTTTCAGAGTTGCTTGGAGCAGAATTCTCTAACTGTGGTTCTGTACAAGGAGACATTAATTCAATACACA  
ATGAAATGCCTCTTTCATGGAGAAGGAAGCTCTGGCGGATGATGATCTAATTTACATGTCCTGGGGGAAAT  
TCCATTGAGTATGCCAGAATTTTAATTTCTTTGTCCATCAATATAGTTATGTGATCAATCTACCAAAGGTGCTT  
GAACACCATTGAATAAGTTTAACTTAATGTGATGGTAGGAGTTGTGTATTATGCAAAGGGAGGATATGCAGT  
TGTTTCACGCAGATTGCGAATGTCTAAATTTTATGTTGGGAAAGGAAATAGGTGAATATTGTAAGACAGAATG  
ATAGCTCATGGCCTGTATAAGCCAGTTCTCTTACTTTCTTCATTTGCTTGCCGCTCAATTAATTCTTGGTCTCTT  
TACATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5082 Novel Gene

ATGTAAGTTTCAGATTGTTTTTGACATGGTTGGAAAAATACAGAGAATCATCCGTGTAGGCCAAAGTTCTGTTT  
ATCAAGGGATATGTATTCTCACGATAAGGTTTATAAACTATATTTGGATTAAAGTTTTAGTCTTATTTTATAATG  
TTATCATTACAAAAATAGGCACGCCATTATTTTCTTCTGGTTAGAATGGGAATAAATGGAGTATTGAATTAGT  
TAATAAGCTGGTTGGTTGTGTTTTCTCTCACTCTATTATTCGTTGCAGTTGTTTCTTTCTCTATTCTGCCTCAG  
GCTTCTCTACATTATAGACTCTAAAAGAGTTGAGATGATCAAAGTCCATGTCCCATATAAGTGATCCAGGGA  
GTTTTATGCATTCAATTTAGGAAATGAGATTAGAGTGCACGACCTTACTTGAAGATGATTTGTTCTACAAATTG  
GACATCTGCGTCCTTGAGTTCTAAGGAAATGAGATTAGAGTGTACTAGAACAATCAGCTTAGTTTAACTTTCT  
AGGGTCAAGGTTTCATACCTCTTTTATTGTCCTTCAGTAAGTGTGTTTGATCGGTTTGGTTTGTACTCTGGTTGA  
GTCAGGTTCTGCTTGAGATGTAAACAATGATGAGTGCAACAGAGAATACTTCCCTAGTTTCATGGGTATTCTA  
CTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5083 XM\_002880256|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal  
domain-containing protein, mRNA

CAGCCGCATTACAAGCAGCACAAGCTGCTGCTATTCAAGTACAGCAGCAGCAGCAGCAGCAACAGCAACAAG  
CTCAAGAATGCCTATTAGAAATGGAAGTCAATCAAGCAGCCACAAAACACAATCCAAACCATTGAAAACCGA  
ACGAATCACCGCATCAGACACCAAATCTTCAAACGACAAATCAACCTACCAAGGAGTATTCTGCCGTGATCTC  
GCCGCAGTTGGAAATTTGCTATCACAAGTCGGATTAAACCGTCCCCTACCTGTTAAGTACGAAGCATTGAGCT  
GCTGAAAAATCACTTGTAACATGGGATTTGAAAATCATGAGGTTTTTTGTTGATACGGCAGGGAAATCTCA  
AGTTCAACTTCTCTCATATTCTTGTAACAAAACCAACAATGTCTGAAAAAAAAAAAAACAACCTTTGAAAATTA  
CTGCCGGAAAAAATTTTGGTCACTGTTGTTTCAATTTGTTCTTCTCATTACTACTGTTCTTTTTTATTTTAAGAA  
GTTTCATGTACAGAATTCCATTATGATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5084 Novel Gene

GCTTTTCCATTTCTCACCCAACCTCCATCCTTCCCTCCCTTCTTACGTCTCGTTCTCTTATTATATAAATCCCC  
TCACCTTCTTAAACCTTTCTCCGTTCTGTTCTACACATCATTCCAACCGATTCTTCGACTTAGGGCTTTTTTTTTT  
TCCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGGGTTTGTGGGATGGAGATCGATTGGATATGACAGAGAGGAACAGT  
ACGGAGAAGATTGAAGTTCCGTTTCTGTTTCATAGTCAGGTGAGGAAGATCAAAGAGGAATCCGAGACGATC

ATGGATTGGCGACCTGGACAACCGGAGATCAGACCGCCGACCGCCGCCTTCCGCCAGATCTCTCGCTCGCCGC  
TTGAAATCTCCGCGCCGCTATTTTCGGCGGGGGATTTCATAGAAGGAGATTGTTTCCAGTAAAGATATTTTGGG  
GCTTATTTTCGTCTCCCTTCTTCTTCTTCTTCCAAGTTTATGTAAAAATTGCTGTGCTTAATTTTTAAATAGAG  
AGGTTTTTGGTTTCGGGATTTTGAATTTGGTATATTACTTTTCTTCTTCTTATAATTAATAATATGATATTA  
CGCAAATCTCGAATTCCTTCCAGACTGTTCATATGGAGAATATAAAATTCCTAAATAATTATCCCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5085 GU188960|Gossypium hirsutum salt overly sensitive protein 2a (SOS2) mRNA,  
complete cds, alternatively spliced

TAATTTCAAGACAAGGTTGGAAAGAAGGACCGGACACAGGGTTGCACAGTTTGCCGCTGTGCTGGAGATTTA  
TGAGGTGGCACCATCCCTTTTTATGGTGGACGTCCGCAAAGCTGCCGGAGATACTCTAGAATATCACAAGTTC  
TACAAGAATTTCTGTGCTAAGCTAGAAAACATAATCTGGAACCATCTGAGAGTGTGGGAACTGAAGCCCTG  
CTTGTTACTAATGATTCCATGGAGCAAATGAACAAACACATTTAATCAATGATGCAGCAGAGGATCATGAA  
GGTTCATTTCTCCATGATCTGAATTTTCTATATGCTGTTATGATATAACTCAAGAAGTGTGTGTATATGTGCGC  
TCGTTTAATTTTCTCATGCCGACCACTTGAATTGTCATCATTCTGCATTTAAAGGTTCCATCACAGAAGGAG  
AAAAAGAAAAGAAATGGTTAAGAGTGGGAAAGTGAAAAAGGCATCCTTAGGAAATTTGCCTTGGATTGTACA  
TAATGTGATTGAAAATAAATTTTGAATCTTTTTGCTGTGAGCTGTTGAACGTAAATTTGTCAATACTAACGAA  
TAGTCCTTTATAAACTATATTTTCTTTACAAGTCTCAGATAATCCATTTTCCAACATTATAAGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5086 Novel Gene

ATAAGAAATCGAAAAATCCCAAATCCGAGTCTAGGGTTTTATCATCGACTTTTCGGTCATTCCGATCCTCCCTTT  
GTCTTACACCGAACAATTCGAAACCAAAAATGTTCCAGGGATGTTTATGCGTAAGCCTGATAAGGCTGCTGC  
TCTCAAGCAGCTCCGATCTCACGTCGCTATGTTTCGGCGTTTGGGTTGCTGTAATTCGTGTTACTCCCTATGTTCT  
TCACTACCTTTCCGACGAGAAAGAAGAGCTCAAGCTGGATTTTTAGGTCGTTCCCTAAGTTTTTGAATCGAGCA  
TGCGGTGAGGTGAAGTGAAGGCTTTCCAAATTATAACTTGTCTTCTATTGATCTCATGGGAAAAGAAGGG  
AAGGAGACTCGTAATCTTTTCACTATTTTCCATTTTACCTTTTCTATTGGATAATAGGCAAATGGTTATTTTAG  
TGTTTGATGAGACGTGAAACCATTCCATTAAATCTCTGGTTGGGTGTGGGGGCAGATAAGGAAGGTTGCATTA  
TAGTTAGTTGGTAGAATGTGTTAATGTGAGATGCAGATGACACTGTCCTTTTATGCAGCTAGAGTTATTTGGCC  
TTAATTATTATTGTAACCTTTATTTATTTTCATATATTAAGTCCCAATTATAATGAATAAATATAATTAACCTCCCA  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5087 BT014718|Arabidopsis thaliana At1g70850.1 mRNA sequence

ATGAACAGAGAGATCATAATAATAATTGTATAGTCCTCATAAAAGTAGTTTGAAAAATGGCTCAGATTGCT  
AAGATTGCTGAGAAGGTGCAGCTGAAGTCATCTGGCGAGAAATTCCTTGAGTTTTTTAAGAACAAAGCCGACT  
ACTTTCCTCGAATGTTCCCTGGAAATATTAAGAGCTATAAGTTTGTGGAAGGAAATAGTTTCAGTCATGGCAGT  
GTCTCCATCTGGAAATATGACCTTGGTTTCGGTAGGGCAGTTGAAGTAAAGGTGAACTACTTTTGGATGAGG  
CCAACAAAACAATCATCTATGAATGTCTTGAAGGAGATTTGTTCAAAGACTTTGATATGTTCAAAGTGAAATT  
GAAGTGACTGATGGTGGAAAGTAGTGGCAACAGCTCAGTTAATTGGTGTGTTGGAGTTTGTGAAGTCAAATGAA  
AATGTGGCTCCACCAAATGACTATCTTCAATTTGGAGCTAAAATATGCAAAGATGTGGATGCTTACCTTTGCAA  
CAATTGAACAAAAAACATAATATAAAATACCAACTTTGGATTGGTTCTTGAAATTAATATCTTAAATAAGATGG  
CTTTCCTTTTAACCTCCACTGTTGTGTGTACTTTATAAAGATAATATTATCAATTTCAATAATCTTCCCATGGTG  
CTTTTACTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5088 NM\_129283|Arabidopsis thaliana ATRPS5B (RIBOSOMAL PROTEIN 5B); structural constituent of ribosome (ATRPS5B) mRNA, complete cds

AACTCATTCTCCGATTTTCAGGATTACCATCTTCCTCTCGACCTTCTCCGGAACAATGGCTGTTGAAGTTGATG  
TGGTTAACCAGGAAGTACCCAGCCTCATCACGATGTGAAGCTGTTCAACCGGTGGACCTTTGACGATGTCCA  
AGTGAATGACATCTCTCTGGTTGATTACATTGGTGTGTCACCTGCCAAGCATGCCACCTATGTCCCCACACTG  
CCGGGAGGTACTCTGTCAAGCGCTTTTCGAAAAGCTCAGTGCCCAATTGTTGAGAGGCTCACAAATTCTCTGAT  
GATGCATGGAAGAAACAACGGGAAGAACTCATGGCTGTCAGGATTATTAAGCATGCAATGGAGATTATTCA  
TCTTCTAACTGATCTCAACCCAATTCAAGTCATTGTTGATGCGGTTGTTAACAGTGGACCACGTGAAGATGCCA  
CTCGAATTGGCCAGCTGGTGTGTTAGGCGTCAAGCTGTGGATATATCCCCTTTGCGACGTGTTAATCAGGC  
AATCTATCTTCTTACAACAGGTGCTCGTGAGGCCGCTTTCAGAAACATCAAAACAATTGCAGAATGCTTGCGG  
GATGAACTTATTAATGCGGCAAAGGGATCATCTAACAGTTATGCAATCAAGAAAAAGGATGAGATTGAGAGA  
GTTGCTAAGGCAAATCGTTGAGAGGTTATTGTTATGTGTT

>trans\_c\_5089 AF411856|Nicotiana tabacum transcriptional activator FHA1 (FHA1) mRNA, complete cds

AAGAAATTGGATGGGTCGACGGTGGAGGAACAGCAAAAGCAAGAATATTGTTTCATCAATCTTAATTGGGGAC  
TTCCATCTCCAATCCCTTCGCCTCTTTAATTTCAAGTCCTTCAATTTTCGATTCCAATTCCCAATTTCTGATGGGT  
ACAGCGGGTAGTGATGTAGAAGCAGGGTTTGCCAAGCTTCAAGGTGAGGATTTGGAATACTATATGCAAACC  
TACTCCATAATCCTCGGCCGGAATCCAAGAAATCCACCGTTGACGTTGACCTCTCTAGCCTCGGCGGCGGCAT  
GAACATATCTCGTCACCACGCTCGTATCTTCTACGATTTACGCGCCGTCGATTGCCCTCGAAGTTCTCGGCA  
AAAATGGCTGTCTCGTTGAAGGGGTTCTTCATTTGCCTGGAAATACCCCGGTTAAGCTCGATTCTCAAGATCTT  
CTTCAGATTGGGGATAAGGAGTTCTATTTCTTTTGCCGGTGAGGAACATTTTGGGTGGTTCGGTTGGCCCGA  
GGAGCTATATGGGTCATCCTGGATCGGTATCGGCGGGTCTACCGTTGCTGGGCGGTGGTGCCGTCTCATTC  
GCACTATAATTTTCATTTGTCTGGCTCTGGAGGGGCCGCTACTGCAGGGGCGATAGTGAAAAAGGGAGAGG  
AAGAGAGTATTATGAAGAGGGATATGAGGATGAGGATG

>trans\_c\_5090 NM\_125261|Arabidopsis thaliana nuclear movement family protein (AT5G58740) mRNA, complete cds

GGGAAAGGGGAGCAGCAAACCTAAAGGGATGGCAGAGAAATTGGCTCCAGAAAAGCGCCATAGTTTCCTT  
CACAACGGTCAGAAAGTGTTTGAATGGGATCAGACACTGGAGGAGGTTAACATTTGTATTAATTTGCCTCCAA  
ATGTTAATTCCAAGCAATTCTACTGCAAGATTCAATCTAGGCATGTCGAGGTTGGCATCAAGGGGAATCCTCCT  
TATCTCAATCACGAGCTTACTTGCCCTGTGAAGACAGATTCTTCTTTCTGGACCTTAGAGGATGATATAATGCA  
CATTACACTGCAGAAGAGGGACAAGGGTCAGACATGGGCTTCTCCAATACAGGGTCAAGGTCAACTTGATCC  
TACTCCTCTGATCTTGAGCAGAAACGTCTTATGCTCCAGAGGTTTCAAGAGGAGAACCCTGGATTTGACTTCT  
CACAAGCTCAGTTTTCGGGCAACTGTCCAGATCCAAGAACCTTCATGGGGGGAATTCGCCAAGTTTGACAAAT  
CTAGTGTGGCATTATAACTTGATGGACGTGACATTTGGTAAATAATGTAGTTTTTGTACTGGTCTTGATTTAT  
GCAAATCCTGTAATGACCGCGATTGTGAGAAGGATATGTACTGAGTCCTATCTCCGTATTGAAGTGAAAATAT  
TTAGGTGATATAAATTTAACTACCAACATTCTGTCTTTTT

>trans\_c\_5091 NM\_119463|Arabidopsis thaliana APM1 (AMINOPEPTIDASE M1); aminopeptidase (APM1) mRNA, complete cds

CAGGAGAAAACACGCATTCTGAGTTCTTTGGCATCATGTCCAGATCCGAACATCATTCTTGAAGTTCTCAACTT  
TTTGTTATCGTCTGAGGTTTCGTAGTCAAGATGCTATTTTTGGACTCGGTGTTAATTGGAAGGCACGTGAAACA

GCTTGGACTTGGCTGAAGGCGAAGTGGGAAGAAATCTCGAAAATATTCGACTCTGGGTTTCTTATCGGACGCT  
TTGGCAGTGCCACTGTCTCTCCGTTTGCTTCATATGAAAAAGCTAAGGAAGTTGAGGAGTTCTTCGCAAGCCG  
TGTTAAGCCATCAATGGCCCGAACATTGAAGCAGAGCATCGAGCATGTTACATCAATTTGAGATGGGTTCAG  
AGCGTCCAGAAAGAGCGTGATCTTCCCAATGCTATAAACGAGCTAGCGTGAGGCGGATATTAGGTTTTCTATA  
TATGCAGCATCTTTGGGAGATAAGGCTACCGGTAATGTAACCATTTATTCTGTTATATTTATGAATGTTCCAAC  
CAAATCCCCACCCCCATAATAAAGTAGGAACAATCATCGTCCCTTTCTTCGTCCTTTGTTTGCTTTGCCCTAG  
AAAAAGACTTCAATTTGGTCGCACTATTTAAATAATTGAAGATAAGGCCATGATGTTTATTTGAGGTTAATTG  
TTCGCTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5092 Novel Gene

TGATTATGCAAAACCGCTCAAAAAAATGGTGAACCTTCTTGCTTAAGATCAAAGCGGAGCTCGAGAACCTCACG  
AATCTTCAGCCTCAAGATGGTTGCGACGACCCCACTTCACTTACCTTTCAAAGTGAAATGCGGGAGATGCG  
GGGAGGTGAGCCAGAAAGAAACGTGTGTGACCTTGAGTGAACTATTCCTCTCCAAGCGGGTAAAGGGACTA  
CTAATCTCGTTCAAAGTGCAAGTTCTGTGGTAGGGAAGGAATATCACAATGATTCCCGGGCGAGGTAAACC  
ATTGACTCAGGAAATAAGTGAGTCAGGGGATTTCTCTCCGTTGATGTTATTTGACTGCAGAGGTTATGAGCCT  
ATCGGTTTTGTATTTGGACCTGGATGGAAAGTAGAATCTATAGAGGGGACTAAATTTGAGGATATTGACTTAA  
ATGGAGGTGAGTTTGAGAGTATGATGAGAAGGGAGAATGCCCTGTAATGATTTCCAATCTAGATGCCAAAT  
TTGAGTTGTTAAAGTAGGAGATAATTATACGCAAATTATTATTATCTCCCCACTGTAAAAGAAAAATTATCATA  
TTTGAATGGCCCTCATCTATCTGTACTCTTCATCTTTCTGTTTCTTTTTTAAAATAAGAATGAAGTTTGAGGAGT  
TGGCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5093 EF554359|Vitis vinifera L-galactose dehydrogenase (GDH) mRNA, complete cds

ATGTCGATATACTGCATTGCCATGATATTGAATTTGGACCTCTTGATCAGATTGTGAACGAGACGATTCTGCA  
CTTCAAAGCTAAAAGAAGCTGGGAAGACTCGTTTCCTTGGTATTACAGGATTACCGTTGGAAATATTTACGT  
ATGTGCTTGATCGAGTACCACCTGGAACCATGATGTGATTCTTTCATATTGTCACCTACAGTATTAATGATTCAA  
CATTGTTAAATTTACTACCTTACTGAAGAGTAAGGGAGTTGGAATAATCAGTGCTTCTCCTCTAGCAATGGGC  
CTTCTAACCGATCAAGGTCCCCCAGAATGGCACCCAGCTTACCGGAATTAAGTCTGCATGTCAAGCTGCGG  
CTGATCATTGTAGAAAGAAGGGAAGAAATATTACAAAGTTAGCCATCCAATACAGTCTGGTGAACAAAGATAT  
TTCAACGGTGCTGGTTGGCATGAACTCTGTCAGACAGGTGGAGGAAAACGTAGCTGCTGCTGAAGAACTTGC  
CACATTTGGGAGGGATGAGGAACTCTGTCGGAGGTTGAAGCTATCCTTAACCCTGTCAAGAATCAGACATG  
GCCAAGTGGAATCCAAAACAGCTGATATTTAAGTCGCTGCTGCTTGGTATGTGTAACATTTTTTTCTTTAATAA  
AGAGTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5094 HQ010041|Corylus heterophylla COR413-PM1 mRNA, complete cds

AGATCGGAGATGGTGAAACCCAACCACTTGAAAATGGTGACGGATTCTGACGCTGCCGATCTGATTTCTCTG  
ATCTCCGAGAACTTGTAACGCTGCTAGAAAGCTTGCTACACACGCTGTTAAGCTCGGTGCTTCGGGTTTTACT  
GCTTCTTTTCTCCAATGGATTGCTTCCTTTGCTGCTATTTACTTGTTGATTTTGGATCGGACGAACTGGAAGACG  
AATATCCTTACTTCATTGTTGATTCGGTACATTTTCTTAGTCTTCCCGGTTTGATTTTCGGTTTTCTCAGGGGAG  
AGTTTGAAAATGGGTTGCCGTTATTGCTGTTGTGCTCCGTCTCTTCTCCCGCGACGATTTCCAGATTGGCTT  
GAACTGCCTGGAGCTTTGATACTTCTCATTGCCTCCACCGTACGAAACGACGCCATCGGAGAAGCAATCTGTCT  
GATCATATCATGCTATTTACTGCAAGAACACATCAGAGCCTCTGGTGGATTGAGAACTCATTACAAAAGCG  
AATGGCATCTCAACACCATCGGCATCATCTTCTCTTCGTTTTCCCTGTCTGGGCGTTGGCACTCCGTGTTCTT  
TGATTGGTTTTCTTTTTTCAAATGCAATTATGGATTATTGATACTTTGTATTGTTTGGGAATGTGGGCTGTGA  
GATTTGTGTCTTAACCTTTTTTTTTCTCT

>trans\_c\_5095 M13378|Maize (Zea mays) histone H3 gene (H3C2), complete cds

ATCACAAACAAAAATCTCACATCGCCCTTTCAAATTCTTCAACTTCTGTCAAATCAATTTCCCCGAATGGCTCGCA  
CCAAGCAAACCGCCAGAAAATCCACCGGAGGAAAGGCTCCGAGGAAGCAACTCGCCACCAAAGCCGCCAGG  
AAGTCAGCTCCGGCTACCGGTGGAGTCAAGAAGCCACATCGCTTCCGTCCTGGAACCGTCGCACTTCGTGAAA  
TCAGGAAGTACCAGAAGAGCACTGAGCTTCTGATCCGGAAGCTTCCGTTTCAACGTTTGTTTCGTGAAATTGC  
TCAAGATTTCAAGACCGATCTGAGGTTCCAGAGCAGCGCCGTGGCGGCACTTCAGGAAGCGGCGGAGGCCTA  
CTTGGTAGGTTTGTGTTGAAGACACAAATCTTTGTGCGATTATGCTAAGAGAGTTACGATTATGCCAAAGGAT  
ATCCAATTGGCTAGGAGGATTAGAGGGGAAAGGGCTTAAAGTTGTGGATTAATTTACTTTGGTGGATCTTTTC  
TAATCTTCTTTGAGTTCATTTGGTGTGTTAGGGCTTTAGATTGTTTCAGGTTGAATGTATATGGGAATCTTGAATC  
TGCTTACTGAATGAATCACCATTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5096 Novel Gene

AAAAACCAGACTTTCATTCAATCAAACCCATTACAAAACAGACAAACGAATTAGCAAAAAGAATCCCTCAGCC  
AGAGAATTTAAGAAGAAAAGCAAGAACCTAAAGAAGGAGAAGAAGAAGATGTGTTTGGTGTTCGTGTGCGA  
TGAGGATCAAAGGGTTTTGTCTAGGCAACCAGCTCCAGGGGCATGCCCTTCTGTGGAGGTATGATCCAAGCC  
ACTGACGTTGAAAGCCAATGGAGGTTCTGTTTCGTTCTCTTTACTGGAAAACCAAACGCAAGTTCTATTGCAC  
TATGTGCACTAGGCAACTCGTTATGCAGTAGAAAAACACCGTTACTTTATATAATTGTTGTTTTTTCCCATGA  
TCTGTGAAGTTTTGAGAGGAGGGTTGACCTAATTTTATCTTTGTTCTGTGAATTTGATGTAAAATATATACTGT  
ATGAGAAATAGAGATATTCATATACTTACCTTGATTGCATGAAATCTTTTGCCTTTCTTCTCCACGTTTCTCTT  
TATGATTATAAGCTACTTAGTGTTGCCACGATCTCTTTATCTGCAGAAATCGTTTGTAATTCTGGGTGTCCT  
CATAAAAGTATGATCATGCGTATTTAACATGAACTAGAAGAGGAACGTAAAAGAATTAGCAACCCTTTTAAAG  
TTGAGTTCAGGAGAGATTCTTTTTTGGGTGGGG

>trans\_c\_5097 AF123265|Lycopersicon esculentum remorin 1 (rem-1) mRNA, complete cds

TCCTTTTTCTCCTTTTCTCTCCACTCCCATGGCTGAAGAATCCAAGAAAATCGAATCCCCGCCGCCCTCCGATCC  
TCCTCCCCACCGCCTGAAGAGCTCCCCAAAGACGTCGCCGAGGAGAAATCCGTCAATCCCCACCGCCTGAA  
GACAAAACCTGATGACTCTAAAGCCCTCGTTCTTGTTGAAAAGGTTCCAGAAGTTGCTGACCCCAAAGCACTG  
AAGGCTCTGTAAACAGAGATGCTGTGCTAGCAAAAAGTTGCAACAGAGAAGAGGTTGTCTCTCATTAAAGCTT  
GGGAAGAAAGTGAAAAGTCCAAGGCAGAAAACAAAGCTCACAAAAGCTATCTTCTGTTGCTGCATGGGAGA  
ATAGCAAAAAGCTTCTGTAGAAGCTGAGTTGAAGAAGATTGAGGAAAGTTTGGAGAAAAAGAAGGGCGAG  
TACATTGAGAAAATGAAGAACAAAATTGCTCTGCTCCACAAATGCAGAGGAAAAGAGGGCGATAATCGAAGC  
CAAGCGAGGAGAAGATCTTCTCAAAGCAGAGGAGACGGCTGCAAAGTACCGTGCCACCGGTACTGCCCCAAA  
GAAGCTTCTCGGCTGCTTCTCGAGCTGAATGTCTCGTTTCCAATCTCAGATTATTGCATGCGGTGTAGTGGGAA  
ATACAAATCTTCATCAGTTGGGGGTGTTACGGCTGCACACTGTG

>trans\_c\_5098 XM\_002872190|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At5g26800, mRNA

TCTCCCTCTTCAACCTTTGTTACTCGCCGGAACGCCCCACCTCTTATCTGTTGCATCCTAACGCTCTCTTTGCC  
GCCGTCCCTTCAACTCTTGTTCACTCGCCATTTAGCAAGAAGGATGGCATGGAGGAATATTATTTCCAACCATA  
GGTCTATACTGCAACCATACTCAGCTTCTTTATTTGCTAGATTCTTTTCTAAATCTAGCCCATATATCGTGAAGG  
TCGGGATACCAGAGTTTTTAAATGGTATTGGGCATGGAGTTGAATCACATGTGGCTAACTTGAATCAGAGAT  
CGGCGACTTCCAGAAGCTGCTTGTTACTCGCACACTTAAGCTGAAAAAACTTGGAATCCATGCAAACATAGG  
AAGCTGATATTGAAGTACACCCACAAGTACAGACTTGGACTATGGAGGCCTCGATTGATTCTTGAAGTCCT

GATGGTTTTAACTATGTTTACTAGGCGATGGAATCGTTTTCTTTAGAAATAACTATGCGATGGAGTCGTTTGG  
TGATCTTCAGTTTGTAAGACTTCGAGGGACAGTATTTCACTTAACTCTAAAGCGTATCTTTATTTTTTTGGC  
TTTTGAATTGTTTTATTTCGTTTACAACTATATAGCTATTTCAGTTCTTTAAGACATGCATGAATCTTAAACCCCT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5099 Novel Gene

GGTTGCGCGAAAGCGATTTCGTAGACTGAGAACAGGCACAAGGAAGAGGAGAGAAAGAGGAAAAGCTATGG  
GGAGGAAGAAGACAGTGGAGTTCGATGAATCTCCCCGGACGATTCGATCCGGAGAATCCGTATAAGGATC  
CAGTGGCGATGTTAGAGATGAGGGAGTACATTGTAAGAGAGAAGTGGATCGATATTGAAAAAGCCAAGATA  
CTGAGGGAAAAGCTCAGATGGTGCTACCGTATTGAAGGAGTCAACCATCTGCAGAAATGTCGTACCTCGTTC  
AACAATACCTTGATTCCACTCGTGGCATCGGCTGGGGCAAGGACGGGCGTCACCCATCCCTTCACGGTCCTAA  
AGTGGAGCCAGCCGAATCGGAGTGAATCGCTGGGTGGAACAACGGTGAGTTCAAATGTTTGCAAGTTTTTGG  
TTGATTTTCAGTTCCTCGTCTACTGAAAATCAAACCTTTTCTTTTTTCGAAGCTTGAATAAATAACAGTGTATAT  
CAGCTCTTTGTTTTATTTCGTGTACTGTTACAAGGTGTGAAAAGAATTATTAAGTCAAGTGGTTAATAATTT  
CGTTTCTAACTCTCTGTAAGTGTGATAACTTTGTAGCAATGCCTGCAAGATTCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5100 AF366558|Arachis hypogaea subtilisin-like seed-specific protein mRNA, partial cds

TTGATTTTCTATGTGCTTAAAAACACTATGTTTTGAATGTTTTCAAACACTTAGAAAGTCAAATCTAAATCAACC  
GTTTTTTTAACTTTTTGCTAGACTACTTTTACCACAATAGGGCTTCTTACATGGTGCTTACCATCTGACCATATC  
AAATCACCATATACATAATTCTTCTGGCTACTTTATGTCCCTTGACTTTCATAAAAACTTTGAAGCTCAGCTCTT  
CTCCTAATTTTGTGAAGTTCAACTTCTTTGGCTTAACCCAAACCGATATCCCAGCCGGTTTCTTATCTTGGCTTC  
GTATGTTCCAGGAGAACCGACATTCTTTAGTCTTCGAGTAATCGTGATCGATCTTGAGAGTTTAGGGACAGTT  
ATTGAAGGATAGTTGAGATTTGTAAGACTAATAGGCTCCGAGCAATTGAAGGGACCATCGGAGAATTGTGAT  
ATTTGAGCTTTGTCATATCCTAATGCACATAGAAATGACAGATATTCATTTACATCTATGTCATAGACCAAGCC  
AGGATCTGTAGCACCATTGGATGAACATGTCCAGCTCCATAGTTGAATGGTGTGGCCACAAAGTAGGACGC  
GTTGAGGAGCGGCTCAAAGTTGTTGTCTAAAGTGCTTGCCGTGGTCATGATGGCAGATTTGATAGCTGCAGG  
ACTCCAATGAGGGTAAAGAGTCCTGAGAAGA

>trans\_c\_5101 XM\_002310380|Populus trichocarpa glutaredoxin (PtrGrx2), mRNA

ATTCCAAACGACACCTGTACTCTTTACAAATCTAAGATCATGCACCAAGCAATCCCTTACCGATCATGGCAATC  
GATTGACACAAAACAAACCACATTAGCAATGAGACCACCATGGGCCGGCAGCGTCGGTGGATCAGCATCCAT  
GCCGTCCGAGGGTGGAGGAAGGAGACGGGACGTGGTTGCGTCAGTGTGCGAGAGTGCGGCGATAGTGTTT  
GCTAGAAGAGGATGCTGTATGAGCCATGTGGTAAAGCGTCTTCTATTAGGATTGGGGGCCAATCCGGCGGTG  
TATGAAGTGGATGAAGAACATGAATCTGGAGTGCTTAAGGAATTGGAGGCTTTTGCTAAATCTTCTAATGTTA  
ATTTGCAATTGCCGGCTGTGGGCGCTGGAGGAACCTTGTGGGGGTTGGATAGAGTCATGGCTACTCATAT  
TTCTGGGGATTGTTCTATTTTGAACAGGCTGGAGCTTTGTGGCTTTAATTTTTCTTTTTCTTATATCAAT  
CCTCAATTTTCTTTTATTATTTTCTTTTATCAAACAGGGATGCTTTTTGTTTGCTATCAATTTTGTGTGCC  
ATCTGTTTTCTGTTGCCAACGAGGGGATTCTTTTTTCTGTAGAGTTCGTAAATGGAATCGTTAACTATT  
GGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5102 Novel Gene

AAAGAAGACCAAAACAAGAATCGAAAGCTTCTCTTCAAAGGGAGAGGGAACAAGAATCTCTCTCAAGTACG  
AGCGAAATGAAGAAGGAAGACACTGTCAAATTGATCAGCGCTGAGGGTTTCGAGTTCGTGATTCACAAGGAT

GGGATAATGAACGAGGTAGCAGAAATGGACGAGAGAGGGGTAATCGAGCTACACAACACTACTGCACGAGCGT  
GTACGAAGAAGGTGACGCTAGGTCTGCGTTAATAACAATGCTTCAATCACTACACCATGCCAAGAATGGAGT  
GGATGTGGTATCAGGGACCAGAGTAAAGTCACATTTTGCTAAGCCAAATTGGAGGCAAGTTTATAAAAAGAT  
TACCCTTCATCATCCAGATACAAAAGTTGGTGTGTTTTACTGTGGAACACCCGTACTTACAAAGGAGCTCAGTC  
AATTGGCCTCCGATTTCACTCGTAAAACATCAACCAAGTTTGAGTTTCACAAAGAGAATTTCTAATTGGGGGTA  
TGAAATTAGTATTTGTTAAAATGCCATTTAGTTATTATTCGGTTAGTGTTTTAGAAGTGGGATGGGAAAAGGT  
CAATGGTTTTGGTGATGGTTGACACATACAGCACTAATTCTATAGCCAACCAACCACCAAAATTTTCATGCCCAT

ACCGCAGCCGCCGCGTTTTGGCCATAATTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTCATTGTAATTTGTATCTTTTATTTT  
GTCATGTAGATTCATATTTTTTTTGCCAACTATATATACATAAAGCTTACGGTAAACATGGATCTGTGTTTTGAT  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5106 X63606|*N.tabacum* atpC mRNA for gamma subunit of ATP synthase

TGATGATGTTTTTCACTCTTTGTTAGTGAGGAAGTTGATAAAGTAGAGCTTTTGTATACAAAATTCGTGTCATT  
GGTAAAATCTGATCCTGTAATTCATACTCTTCTCCTCTATCACCAAAGGGTGAGATCTGTGATATAAATGGAG  
TCTGTGTAGACGCTGCAGAAGATGAGTTTTTCAGGTTGACAACAAAGGAAGGGAAATTGACAGTAGAAAGG  
GATTCAGTGAGGACAAGCACATCAGATTTTTACCAATTTTGGAGTTTGAGCAAGACCCAGTTCAGATCTTGG  
ATGCTTTATTGCCTTTGTATTTGAACAGCCAGATTTTGAGGGCATTGCAAGAGTCATTGGCTAGTGAACCTGCT  
GCTAGAATGAGTGCTATGAGTAATGCAACCGATAATGCTCCGAGCTGAAGAGAACTCTGTCTATTGTGTATA  
ATAGACAGCGCCAAGCTAAGATTACTGGAGAAATCTTGAGATTGTTGCTGGTGCTAATGCCTTGACTTAGCC  
CAACGTTTGTGTATATCTCCTCCCTTGTTTGCTTGGTTTTTCCCCCTTCCTTTCCTTACATACTTCAACCGGCCAT  
GTCTCTATATTCAATCATATCATTCAAATTATGCCATTTCTATAGAATATATACAAATTGTAAGTCTTCCTCCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5107 AB080739|*Eustoma grandiflorum* EgSPY mRNA for SPINDLY, complete cds

ATCCTTGGTTTGGAGTCCACATATCGTAAAATGTGGCATAGGTACTGTAAAGGAGATGTGCCATCATTGAGGC  
GCATGGAAAGTGTACAAGAGCGAGAACTTATAGAAGAGACGATTACAACAACGGAATCAAACATTACTGCCT  
TGAAGGAGAGCCCCGCATCTACCCAATCCAATGGACACTGTCCTGTTTCCTCCGACGTCCTCGATCATTCCCCCT  
TGTGGAGAAAATGGCGATCCATTGCCTCCAACCAAAAAACCAGGAAAGCTCAATTGAAACATGAATTAGCAAT  
TGTGGAGTTCTTTTACAACTCTACAGGAGGAGGCAAACCAAGTGTGTTTGTAGTAATGGTAACATTGGTCA  
AGAATTCCAGCATCACTGAGGTTCCAAATGGTCAATATCTTCAACTTTTGCCTGGAGAAAAATAGAGATTGTT  
AACTTACTGCTAGAATTTCTGCTAGAAATAGTTGTAAGTGTGCTTTTTCGCCCACCGAATCATAGAAAATTAGGT  
GTCATTTGTATATCGTAGAGGGTTTTCTTTCCTTAGCAATGGGTGCTGTGAAAATGTCTAATGGCTTGTCAGA  
GGAAGTGTCTGGTTGGGAACATTATAGAGTGTCTTATTAACCCCTCCTTGTGCTGTTATTGGAGATGCATTTTC  
CATGGAAGAAAGAAATTAATGAGTTAAAAAAAAA

>trans\_c\_5108 EF688574|*Gossypium hirsutum* phosphatidylserine decarboxylase 2 mRNA, partial  
cds

CAAGTATTGCAATGTCTTCACAGAGAACAAGCGTTCAGTAGCTATAATTTCAACATCCGATTTTGGCAAGGTTG  
CTTTTGTGCAATTGGAGCTACCATGGTTGGCAGCATAACCTTCAAAAAAGGGAAGGGAGATAATGTAAAGA  
AAGGAGAAGAGTTTGGGTATTTCTTTTGGTGGAAAGTACTGTAATTTGTGTCTTTGAAAAGGATTCGATCCA  
ATTAGATGAGGACCTGTTAGCAAATAGTTCCAGATCACTTGAAACGTTGGTTCGCGTCGGGACTAAGCTTGGT  
CTTTCTACCAGAAGAGTTTCTCAAACCGATTTTCCAGATGTAAGTCGTTGTGCCATAGACGACCAAAAATGAGC  
TCAATTGTGTATGTCTCGTTTTCTACTCTGTTCATAGTTGTCTTAATGTTTTTGTGAATCTTGCAATTCATCTATT  
TACTATGATCTGTCACTGTCCACGGTGGAGGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAGAAAAAAAAAACTGATCGAT  
TTTGTGGATATCAATAAACTAACGAGTGTATGTATAACAATTGTGTTGTAAGTTGTGCCAATCATGAGTTTGT  
ATTTCTACTTTTTAGGTCTTGAGAAGGGTTATTAACCTATTTTCTGTTTTCATATTTATGAATATTTTCTTGTTTCAT  
TTATACAACGAATTCAATATTTTTTTAGC

>trans\_c\_5109 NM\_001063081|*Oryza sativa Japonica Group* Os06g0103900 (Os06g0103900)  
mRNA, complete cds



ATAATGGACATGAATGCAAATCTCGGCGGATTTCGCAGCCGCTTTAGTGAAGTTCCCAGTATGGGTAATGAACG  
TTGTCCCCGCAAATTCAGACCGTGACACTTTGGGAGTAATATACGAACGTGGCTTTATCGGAACATACCAAGA  
TTGGTGTGAGGCGTTCTCAACATACCCGAGAACGTATGATCTAATCCATGCGAATGGCATATTTAGCATATATC  
AGGATAGGTGTGATATAACTCAGATTCTATTGGAGATGGATAGAATTTTGAGGCCAGAAGGGACAGTAATTT  
TTAGGGATACAGTTGAAGTATTGGTGAAGATTCAAACAATATCAGATGGAATGAGATGGAAGAGTCAAATTA  
TGGATCATGAAACTGGGCCATTTAATCCTGAGAAGATTCTTGTGGCTGTTAAACTTATTGGACTGGTGAAC  
CAACCAACAACAAGAGAAACAAGCTTAGTCTATTTTTTAAATTAAGATTATCAAAGAAAAGAGTTTGTGTTTGT  
TTGTTTTTTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTGAATTTTACTCTCCACATTTTCTCACTTAGGTGTGTGTACTTT  
TTCTTCTATTTCCCTGTTCCATTTTGAATTTTCTAAGTAATTTTTCATATAAAAAATATTTATATCATTTTGGCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5110 Novel Gene

CAAAACTCAAGTGATCAACCCATAGAATTAAGCAAATTAACCTTTTAAATTTAAGATCATGTCGTCGGACTTT  
GGAGAACATGTAGGAGAACATGCAGGTAGGACGTACCAGTTCGGCTCGGGAGGAGCCTTCAGAGCCATTAAT  
AACTGTGCAACTGACAAAGTTGTAGTACAAATTGCCACATGGACGTTGACTGTGATTGCGGCAAAGCATCAGA  
TTGAGCTCAAGCTTAGGCTTGTGGTGAGTGCTGCTATTGCATTGTTTACAAAGGGCAAACCTCTATCGACTTACA  
ATTCAGGCTGATGCTAAAACCAATTCTGGTTGGGTTGTTACACATATGATGTTGAGGTTTGGCTCCCTCTTGT  
TGGTCCTTGGAAGTTAGATCTCACAAGCTTTCCAATTAACAACCTAATCACGAACATCACCATGTTTTGATTG  
GCTTTCTGAGTAAGTTTATTTAAATAAGTGTTTATATGTAAAAAACAAAAAAAAAAAAACAAAAAACAAAAG  
TGTTTGAAACTCTTATTTTAGAAAGTCAATACAAAACAGTCACTAGATCCGAGTACTACTATCTTTTTTCTACTT  
AATCATCTTCATCTATATCTATCCTTGCTTTTCTACTTCTCAATCAATAAATACTTTTCTTTTATGTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5111 AF305635|Pisum sativum serine/threonine protein phosphatase 2A mRNA,  
complete cds

AGGGTTCCATTCTCCATTGTCGCTCTTCTGCTGCTGGCAATCCGAAGAACAGATACATGGATTTGGACCAATGG  
ATCGCTAAGGTCAAGGAAGGCCAGCACCTTCTGAAGACGAGCTTCAACTTCTTTCGAATATGTAAAAGAGA  
TCCTTATTGAGGAATCTAATGTGCAACCTGTCAACAGTCCTGTAACGGTTTGTGGTGACATTCATGGTCAGTTT  
CATGACCTGATGAACTTTTTCAGACTGGAGGTCATGTGCCAGAGACAAATTATATCTTCATGGGTGATTTTGT  
TGATCGAGGTTATAACAGTCTCGAAGTTTTTACTATTCTTTTCTTAAAGCCAGATACCCAGCTAACATCAC  
ACTCTTGCGAGGAAATCATGAGAGCAGACAGCTTACACAGGTTTATGGCTTTTATGATGAGTGCCAGAGAAA  
GTATGGAAATGCAATGCATGGCGGTACTGTACAGATGTTTTGACTACTTGACACTCTCAGCAATTATAGAT  
GGAAGTGTCTCTGTGTCCACGGAGGGCTCTCTCTGATGTGCGAACCATCGATCAGATAAGGGTGATTGATA  
GAAATTGTGAAATCCGCATGAGGGGCTTTTTGTGATCTTATGTGGAGTGATCCAGAAGATATTGAAACGTG  
GGCAGTTAGTCCACGAGGAGCTGGTTGGCTTTT

>trans\_c\_5112 DQ191666|Solanum tuberosum glycoprotein-like protein mRNA, complete cds

AGTTTCGATTGCGACTGTATAGTCTTCTTTCTTCTCTCGCCCCCTCTCTGAAACCCTTCACACTCCAACATGCCAT  
TCAAGAGGTTCTGTGAGATCGGGAGGGTCGCTCTCGTCAACTATGGCGAAGACTACGGAAAGCTTGTCGTCA  
TTGTCGATGTTATTGACCAGAACAGAGCTTTGGTGGATGCTCCTGATATGGTCAGGTCCCAAATGAACTTTAA  
GAGACTTTCTCTTACTGACATTAATAATTGACATTAAGAGAGTCCCTCGGAAGAAGGAACTCATTGAAGCTATG  
AAGGCTGGTGATGTTCAAAAAAGTGAGGAGGATAGCTCTTGGGGTAGAAAATTGCTTGTCAAGAAAAGGAG  
GGCAGCCCTGAATGATTTTGATAGGTTCAAGCTAATGTTGGCCAAGATAAAGAGAGCTGGATTGGTCAGGCA  
AGAGCTTTCGAAGCTGAAAAAGAGCCAGTCTTAGAAAAGTGCAATTTGTTTAGAGCTTCAAATTTTGTAGAGA

ACAATTTATCAGGTGTGGTTTGTATCCCTTTGTTTCTCAAATCCTTGAGACTGGGGAGTGTATCTGAAATGC  
ATGGAATTTTGGACATCAAGTGTAGTGAGTTTTTCCCAATGTGCCAACATTAATATAATTTAATTAATAATAGTA  
TGTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5113 EU243336|Nicotiana benthamiana bypass1 mRNA, complete cds

TTGAAACAACCCCCATTATTACACATTTCCATTTCAAAGTTCAAACCTTACAACACCGTAATTAGCAATACAACCC  
AAAAGCATTTCTAAATATAACTAAACACTACATTATTACGCTACACTATGGTTAGTTAATATATTTCTGTAGTAG  
AAACACAAGAGACACCAACCCATCCCTGTACACAGGTTTAAGTTAAGCTCTGCCAAGATCGTCTGATTGCTTGT  
TTGACTTGTCTATTCCCTGCTTCGACTCCATTTTAAGTTTAACAACCCCTAAGGTTTGATAGCAAAGCATCGCG  
CCCTGCCAAAACAATTTGGAAAAAGTTGTCGACTTCCTTTGTAAGCGAATGTAGATCTTCTGATAGTTTCTCTG  
TCTTTCCTCCCAATTCTGATATGCTGTTCTTCAGCAGTTGAGCATCTTCGACTTCTGGTTTCTCTGGGATCATTTG  
ATGAAGTTTGCCTACACATTGATCGATAGCTTCAAGCTCCTTCAAAGGGGTGAACTTTCCACTTGTGTATATAT  
TTCTAATTTCACTATTTACATCATTCTGCAAGGAGGAGAAAAGTTTGTCCCCACAAATATGTATTGGCTATATCCA  
GATCAAAGAGCTTTGGGGAGCTTAAGAAGGCGGAGGCAAAGACACTGCACACAAAAACTGTCTGTACCTTCA  
CCCCGTACAAAGCCCGCATCAGAA

>trans\_c\_5114 NM\_124859|Arabidopsis thaliana RAB GTPase activator (AT5G54780) mRNA,  
complete cds

GCCCTGGAATATGATCCTGATCTATGCACATTGTATGAAGAACCTGATTTGGGCAATGAGAAAGGAGAGGGGA  
TCAAAAGGAAAAGCAAAATCGATACGCCAATGTGGGAAATATGAGAGGGAGAACTTGAAAGCAAAGAACTC  
ACAAGCTCCTCTTCCCATCTCTGTTTTCTTGTTGCTAGTGTCTTGAAAGATAAGAGCACAAAGCTACTCACAGA  
AGCTCGAGGTCTAGACGATGTTGTGAAGATATTGAATGACATGACTGGAAACCTGGATGCCAAAAAAGCTTG  
CACTGGGGCAATGAAGCTTCACAAGAAATATCTAAAAAAGGCCAAGAAGGCATAGCACTAGAGAAACCTGAA  
ATTATATTTTTTCTGATCATTGAGTGGATCGGGCAAGAGATTGTCATATATTTTCTGCACAAACCGGTGGCCAG  
AATTTGTGGATCTATCCAAGTTTTCTGACCAGCTATACATTCCCACATATCAAATTTGTTGTATGTAAAAATAAT  
TTGTTTCATTTTCTCTCTTTTTTTTTTTCATCCTTTTTTGATACTACAAAAAGAAAAAACAGTGAAAAGAATAT  
ATTCGTGATAACCATCTGATTCTTTGTAACAACCTTTATGCATACAGAAGTAAATATCATTTGTATAAACGTTCC  
ATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5115 BT010615|Arabidopsis thaliana At1g34320 gene, complete cds

ACCACAAAAAGTTGGGGACTGCTGGTCTCGCTTTCATTATGCAAATATTATTAGTCAAATTGATACACTTGTA  
TCTCGATCAAGTTCTGTACCTCCTAATACGAGGGATGCTTTATATCAAGGACTACCTCCCAGTATAAAGTCAGC  
ATTACGCTCAAACTACAGTTATTTTCAAGGGAAGAGCTTACAATTCCTCAAATCAAAGCCGAGATGGAG  
AAAACCTTACATTGGCTTGTTCCTTGCCTTGCCTTGCCTTGCCTTGCCTTGCCTTGCCTTGCCTTGCCTTGCCT  
ATGGGCAAATACAGGGGCTGAAGCCAACCGAAAAATTTCTTTGGCCAGAATTTGGTTTGGGAAGACATAGC  
AGCTGAAGGGAAGGGGAAAATCATAAAGTGGGAGATAAAGTCAAGATTCTGGGGAAGGTTGCCTCTGTAG  
CGGAAGCAGTAGTTTGAATACGTAAGATTACTAATTATTATACAATAAGATTATGATATGGGCTTTTGTATATA  
TAATATATATTGTAGTAGCCAAATATGAAGCAAGTAAGATGATACAGTTGTTTGCCTATGTTTCTGTGTGAC  
ATTGAATATGAATATTATATGTATGAATAAAAAGGGGTATGAGTCCCATAGTGTATTAATAAAAAAAAAAAAAA  
AACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5116 XM\_002879675|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosome biogenesis regulatory  
protein family protein, mRNA

GAAAGAAAGCCTGAGGTTTTAGGGTTTCCAATTTATTATAGAGAACCTCTGTCGTCGGCAACCTAGGTGGTC  
GGAGCATGGAGATCGAAAATCAGCATCCGTTCCAGATTGACCTTGGTCATCTAATGGCATTCAATCCTCACCAT  
CAGTTTCCTTCAATCCCCCTCCAGGGAGGAACATAATCAGTGAATGCCTGCAAAAGGGAACAGAGTTAGTTC  
AATCTATTGCCAATGATCTTTTCAACCTGCCTTCAACTGAAGACAGAGACGGCCCCCTTGTGAGGTTGCCTCCA  
CCTACTACGAGATTGCCGAGAGAGAAACCCCTTCCAAAGCCGAAACCTCTACAAAATGGGAACTTTTTGCCC  
AAAAAAAAAAGGCATAAAAAAACGTAAAAAAGATAAGAGAGTGTATGATGAACAGATGCATACATGGAAAC  
GTCGCCATGGTTATGATCGTGCAATGACGAGGATAACATTCCCATAATTGAGGCCAAGATGACTGATGAGTC  
TGGGGAGGATCCATTTGCTGCAAGGCGAGCTGATAAGAAAAACGAGTTGAAAAGCAAGAAAAGAATCGAT  
TACAAAATCTGAAGCAAGCTGCAAAAGTTGGCGCTCTACCTAGCCACATCCAAGCTGACACCGCTTTGCCT  
ATAACGGGGGACTCAGGCTGCACCTAAGAAAATCACTA

>trans\_c\_5117 D13991|Aralia cordata cadac1 mRNA for cinnamyl alcohol dehydrogenase, complete cds

AGAGTGGGCTAAGAGGCGGAATTTGGGACTGGGCGGCGTTGGACATATGGGTGTGAAAGTGGCAAAGGCT  
TTGGGCCATCACGTGACGGTGATAAGCTCGTCGGAGAAGAAAAGAGAGGAGGCTCTGGAACATCTTGGTGC  
CGACGATTACTTGGTCAGCTCCGACAAGGCTCAAATGGACCGAGCCATTGACTCACTCGATTACATTATCGAC  
ACCGTCCCTGTTTTTCATCCGCTCGAGCCATATCTCTACTGCTAAACTCGACGGAAAATTGATCTTGATGGG  
TGTCATTAATACTCCATTACAATTTGTTTCCCCTCTCCTTATGATCGGGAGGAAGACGATTACAGGGAGCTTCA  
TCGGAAGTATGAGAGAGACGCAAGAAGTATTGGATTTCTTTAAAGAGAAGGAAGTACCTCAATGATTGAAG  
TGATAAAGGTTGATTATATAACAAGGCTTTTCGAGAGGTGGGAGAAGAACGATGTTAGATACAGGTTCTGTGG  
TGGACGTTGCTGGTAGTAAGATGCCTGAGTGAAAGTGATGGGCAGGGGAGAATGTGGAGGGAAAAGAGAG  
GAGAGTTATAATGTGTTTTGGGTGGTTGATGAAATTATGAATGATCTTTGTACTATGAAACTTGGATGAACAT  
GTTGGGTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5118 NM\_117426|Arabidopsis thaliana SMAP1 (SMALL ACIDIC PROTEIN 1) (SMAP1)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTAATATTTAGGTTACTTTATCAAGGTTTCTTCTCAAATTCCCATTGCGCCAAGTTACAAATTCAAACAA  
GTCTATTTGGTTTCCATTGTTCAATTTGGTTGCCACGGAGATGAGATCTTCACCGATGGAGTTCTTTCGGGAGCT  
GGAAGAACAGGGATCCACGGTCGCCATGGACGTCGACGATGTAGACCCACTTGAGATATTGGGCGAGGGTG  
TGATCTCCGCCGAGAACAAGCTCGCCGACGCCGATTTCTTCAACTCCTTCGAGGATGATTTTGATGACTCTGAC  
GTCAACTGAGATTCTTTTTCGTGGTTTCCTTCAAACAAGTAGTTAATTTCCAATTCTATGTTCTTACTTCTCTT  
GATCAAAACAAAGTTGATAGATCCTACCATGCCCTAGTTTGTTTCAGTCTTTAGGGATTTCACTGGTTTGCTTGG  
TGATAAGTTGAATACTTTAACATGTTTTACTTTCTGAATTACTTGATTGGTTATCCCATAGTTTCTTTCTCTCA  
AGCGTGGTGGTTAGCCTTGTAATTGTCATTAGTTGCAACGAAAAAGGGGAATGTGTTTATATATAACAGAAAA  
TGTGAGAACTGTGTACTTTGTTGCCACATAATTTAGAGTGATTTTGAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5119 FJ362592|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L35a (RPL35A) mRNA, complete cds

CTCATCGGCCGTCAAACACTCCATAGCTGAAGCAGAAACCCGCCGAAGATGGTGAAGGGAAGGCAAGGAGA  
GAGAGTCAGACTCTACACCAGAGGAACAATTCTCGGCTACAAGAGGTCGAAGTCGAACCAGTACCCAAACAC  
TTCTTTACTCCAGATCGAGGGTGTTAATTCTAAGGATGAGGTTTCTTGGTACCAAGGGAAACGATTGGCATAT  
ATTTACAAGGCTAAAGTGAAGAAGAATGGTTCCATTATCGTTGCATTTGGGGCAAAGTAGCAAGACCTCATG  
GTAACAGTGGTATCGTTAGAGCGAAGTTCAAGTCTAATCTCCACCAAAATCCATGGGTGACAGGGTCAGAGT  
ATTCATGTACCCAGCAACATTTGAGCCTGGAGAACGGGATTGAAACAAGTGTTGCTACATGATGGGATTTA

TATTTTATTATATTTTCGTGAGCTAAGATAGAAGCATTTTATGTTTTCTGAACTGAATCAATTTTTGCTGTTAG  
GTAATGTTTAACACCCGAGTAGTTAAAGCAGAATTATAGAACCATTTGTCTCGAGGATTGTCATGTGTTTTAGC  
GAATTGCACTTCTATCAAGTGGTTTTCCGTATTAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTATTATGAA  
GTTAAGACTATAATTCTTACCAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5120 AY829646|Capsicum annuum cold-inducible protein mRNA, complete cds

GAAAACACAAGAACGTAACCCCATTCCAAATCCATCATCAACAATCAAAACATGTCGGGATTCATCGAGAAAA  
TTGGCGAGAAGCTCCACATTGGAGGCGATCACAAGGGAGAGCACCACGACGCTCACAAGGGTGAGCATCAC  
GACGAACACAAGAAGCACGAGAAGAAAGAGGAGCACCATGGAGAAGGGCACAAGGAAGGGGATAATTGAGA  
AGATCAAGGATAAGATCCATGGGGGGGATGGTCATCATGACGAGAAAGGGGAGAAGAAGAAGGAGAA  
GAAGAAGAAGGGTGAGCACGGCCACGAACACCACGGCGGAGATAGCAGCAGCGATAGCGATAGCGATTGA  
TGGATCAGATCAGCTCGGAATCATTAAATTAAGAGGTAGATTGTGTTCCGATCGCGTGTGTTGTGTTTAGTA  
TAATAATAATAATCTCATGACTCCCTTTGGTTCAATCCCTCTGTTTCCGATCTACGTTTTTTGTTTTAATGTAA  
GATTGTTATGTACTGTATGTGTGGTGTATAATAAGATTAAGAGATTTTATATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
GGGCCCCCGGCCCCCAAAACCTTATCAAACCCGCCAACCCCG

>trans\_c\_5121 NM\_001123829|Arabidopsis thaliana UBP1B (oligouridylation binding protein 1B);  
mRNA 3'-UTR binding (UBP1B) mRNA, complete cds

TCTGGGGGCGTCTCTCTTCTCTCCATTTTTTCGAGGTCGTTGACACGAGCCTCGTTCCACACCTGTGCCCTAA  
TCTATCGCTTTGTCTGGAAAATTATTGTAATTTAAGGCCATAAACCCGAAGAAAAATGCAGCATCAGAGGTTG  
AAGCAACAGCAGCAAGCTTTGATGCAGCAAGCTCTTCTTCAGCAGCAGTCTCTCTATCATCCTGGCCTCTTAGC  
TCCTCCCCAGATCGAGCCAATTCTAGTGGAATTTACCTCTGGTTTTGATGCAAGCACTTGCCGTAGTGTAT  
ATGTTGGGAACATCCATATACAAGTAACAGAACCACTTCTTCAAGAGGTTTTTGGTAGTATTGGTCCTGTTGAA  
GGCTGTAAGCTTGTAAGAAAGGATAAGTCATCCTATGGATTGTCCACTACTTTGATCGCAGATCAGCTGCCCT  
GGCTATTTTATCACTCAATGGGAGGCATTTGTTTGGGCAGCCTATTAAAGTTAACTGGGCATATGCTAGTAGC  
CAGAGGGAAGACACATCAGGTCATTCAACATTTTTGTTGGCGATCTTAGCCCTGAAGTCACTGATGCTATGTT  
GTTTGCATGCTTTTCTGCTTACTCCAGTTGCTCAGATGCGAGGGTTATGTGGGATCAGAAGACTGGGCGATCA  
AGAGGGTTTGGATTGTTTCCTTCCGAA

>trans\_c\_5122 XM\_002882669|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata LOB domain family protein, mRNA

ACAACATTATTTCAATTTGGCATAATGAATGAAGAGCAAGAATGAGAGGTTGGCATGAGACTCGTTCTTCATC  
TTCTTGTCAGCTTGCAAATTGTTGAAAAGAAGATGTATTCCCACTTGATTTTTGCTCCTATTTTAGGTCTGA  
TGAGCCAAAGAAATTTGCCAAAGTTCATAAGGTTTTTGGGGCAAGTAATGTTAGTAAGATTTGACTGAAGTT  
CCTGAAGAACAGAGAGAAGATACTGTTAATCTTTGGCTTATGAAGCTGAAGCCAGGCTTAGAGATCCTGTTT  
ACGGCTGCATTGGTGCTATAGCTTTGTTGCAGACTAAAATGGTGGAGCTTCAACATGATCTTGCTCTTGCTAAA  
GCCCCGTCTCGCTCGTTACGCTCATAATAATACTTCTCTTCTTCTTCTTCTTCTTGTGCAGAAAATTGTGTTG  
TTAATATGTCTTATGGTGGATTGAGTTTCTCTGCTGAGCAGAGTTCTTCTGATGATATACCCAATATGGTTATT  
CATGTGATTTACCCATTTTCTTATCCATTTAAAGCTTGAACTCTGTGATCTCTTCTCTCTGTCTCTATCAT  
CAAGGTTTCTTGAAAGATTTTCTTTCTGTTTATGTATAATCAATCATCTGTTTATTCCCGACGTAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5123 Novel Gene

AGATCATCAAAAAGGCATGGCGACGGAGAGTATCCGCCAAAGCTGAGGGAAGATGATAAAAGAAGGGAAA  
GAGATATATCAGTAAGACATCGCTCAGAATCACATAGGAGGGAAAATCCAGATGAGAAGAGAGATTATTGGT  
CCTCTCAGGGTGGTAGAGATTCTTCATCACATTCTCATAGAGAAAGAAAATGAGGACTGTCATAGATAAAATGA  
ACGACTACACAACATACCATCATGGTTAGTCCTCTCGTGCTAAGTTCCAACATTATAGTAGAACATAATTTGGT  
TTTGTGATGGCCTGTTTTGTTTCCTTGATTGTATTGGCAACCTTTTTTGGCCACTCACTATTTGTACTATCAAA  
ATAGGTAGTAACTCTTTGATGCGGAAATCTCTGAGTAGAAAAGGTAAAGTACATGCTTAGGAGAATAAAATAT  
AGGAATTAATTTTCTACAAGTTTCCTTGACGCTCAAATGTTGTAGGTCAGGTGGGTTGTCCCAATAGATTAGCT  
GAGATGCGTGTAAGCTAGCATTTTATGAATATTAGAAAAAGAAGAAAAAAGGTTTATGCTTTGTGAGTGAT  
GGTGGAGGATTGTATATTGATCATTTGAATATTCTTAATTTCTTATCCAATTGGTATAACCATTCAAGTTGC  
AATTAATGTTGGTGGTAATCTTTGGTTTCA

>trans\_c\_5124 NM\_001069068|Oryza sativa Japonica Group Os08g0564800 (Os08g0564800)  
mRNA, complete cds

AGCTAAATCGTCTACAAGCCTTCGATCATCTTTTCACTCTGAAATCTCCTTGGTTTCTCCAATTTCTCTGAATTC  
CACTCCTTTCTGATCCATTGCCAATCGCCCTCTTACCTTTGAATGGATACAAATAATTGTAGACCTACTCAA  
GGTGGAATTGAGGATGGGGACTGGAGGCTTCAATTGCACCCCAATTGTCGATCATGGATTGTGCAAAAAATA  
ATGGAGACGTTGAAGAGGCACCTTCCTGTCTCTGGTCAAGAGGGACTGAATGAATTACGAAAAATTGCTGTA  
AGGTTTGAGGAAAAGATTTTACTGCTGCTACCGATCAGTCAGATTACCTAAGGAAAATATCTCTGAAGATGC  
TTACCATGGAAATGAAACTCAGCACCTATGGGGAATTCATTACCATCAAATCCGATCAATGATATTGAAGA  
TCCTGAATTAGAATATTTGAGTGAATATCCACAAAGATGATCGAAGAAGAATGGAGTTGGGAAAAAGTTAT  
GGATTTTATTGCTAATATAAAATAATTAGAATTTGTAATGTGCAATTTAGATGAGAGATTGCGAATCCATTCA  
TCCAATTGTATGGCTTTAAATTGGTTATAAACTATGTATGAAGTAAGAGATAAATTCAATCGAAAACTCAAAG  
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5125 NM\_118229|Arabidopsis thaliana cytochrome-c oxidase/ electron carrier  
(AT4G21105) mRNA, complete cds

AAAAATAAAGAAATAGGCCGATACCGTGTTCTTACTTCTTCCCCTCCGCATCGCAAAGGCAGTCATCGTCTATT  
ATTCGCCCCATCAGCGGCAGCCTTCGGAACAACGATTTCTCGCTCTCCTCAGACCTTCTAATTCACGATGACT  
GAAGCCATTGAACAACCATTTAGGCCTCGTGAAAACTTATTGAAAGGCAAAAGTATTTTCAGAGCATTCTATA  
AGCACACATATCTCAAAGGCCCATTTGGATAAGGTCATTCTGTTGCCATTCCAATCGCTTTGGCAGCTTCATCG  
TTGTATCTTATTGGACGGGGGATCTATAACATGTCACATGGAATTGGGAAGAAAGAATGAGGTCATAGTCTCT  
TTGCATGTTAATTTGAAAGAGTTTTATGCTCTGGATCCATGTTAATTTGTTATTGAAGTAATCTCTGCCTAATA  
ATTGCTTAGTTGCAGACTCGACTACCAATTGATTGAATATCATTTTCAGATTCTTTGTTGTGTGTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAATTTTCTCTTTTTTGAAGAAATGTCTGGTTGAGTTTGGTTTCTAAGATTCTTAA  
GTTGTGACGCCAATGTATATTGAGATTCTGGAAGCCCCATGGTCGTGAAATAAGAAAGTGAGGATTAGCAAC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5126 NM\_001084592|Arabidopsis thaliana SEC61 BETA; protein transporter (SEC61 BETA)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATGGAAATTGACTGTCATTTCCACAA  
CAAATCTGATTCTACACTCCGGCGGTTGTCATTGTTATAAATTGCAGTAGGGCTTTAATGTGCAGCATAAGAAT  
AATCAACAAACGGAAAAAGCAAAATTTAGAGAACAGAAAAGCTCTTTCATTCTAACTAGTAACAAAATCGAAA  
TTAGTTTTGACTGTAATGACAAACGAGAGTTCAGTTCAAATTAATACTTTTGCCACAATGAATTTAAATATGCA  
TCACACTTTTATCAGGGGAAAACCCTCTAGGCTTCTCTCGCACGAAGTACAGCTTACCATAACATGGAGAAC

GGCAACAAAAGCAATGAAACCAATGCTCATGACGAGAACAACATTGGGGGATATCTTGAGTCCAGGAGCATC  
ATCCGTGTAAAACTGCAGCATTGTTCCAGCTGCACCTCCAGATGTACCAGAACTTGTTGTTCTTCTCCTGCGCA  
TGCTGGCAGTAGCTGCCGCACTTCCTCTCTGGGGACCTCCACCTAAAGCCATTCTGAGACAAAATCGAAGAAG  
AGTTGTTTGTGTTGGAATGGGGAGATGGAATTGGAATTCAGAAGGGAATGCTAATTCTAACTTTTCTTTCTTTT  
CTTTCTTTTCGTTTCTTCTATTT

>trans\_c\_5127 XM\_002866114|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S30, mRNA

CTTGATCTCCATCTCCTCAGCGCTTGTTATCGGAAGTTAAGCACCGGAAGGTTCCGAAGCAATCAATCAGC  
CATGGGGAAAGTACACGGATCTCTGGCTCGTGCCGTAAGGTGAGAGGTCAAACCTCCAAAAGTAGCGAAGC  
AGGACAAGAAGAAGAAGCCCCGTGGACGTGCACACAAGCGGATGCAATACAATCGCAGATTCTGCACTGCA  
GTGGTTGGTTTTGAAAGAAGAGAGGACCAACTCTCTGAGAAGTAAGCAAATAGAGCGAACTCATTGAGG  
GAGCTTGCCGCTAGAGAGGCGTGGTTTTGTGCTTTACTATTAATCTTTTCTTCTATGTCTCATAGATGTTTT  
AGTTTATTGAGGCTTTTGACTGTGTAAAAGATGTTTATTTTGACAATATATCAGAAGTAATGTGATTTGGATCT  
GAATTTTTGTCGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGCC  
CCCAAAAAATTTATAAAACCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCGGGGCCCAATTCCCCCAAAGGGGGGGCAAA  
TAACCCCGCCCCGGGGCCCGTTTTTTAAACCCCGGAAG

>trans\_c\_5128 NM\_001056907|Oryza sativa Japonica Group Os03g0417900 (Os03g0417900)  
mRNA, complete cds

ACTGTGGCTGAAGTAGAGCCCCTTGTAAGGATTTTGCAGCAGATGGAAAGCTGCAATCGAGTTGATGCAC  
AAAGATGTCATCACTTCTTTAGTAATTTCTGTGTGGAATGGAATCCTAAGGGCGGCTTTGACTCAACTGCT  
CCTTTATTACACAAGACTCTCGACTGTATAAAGCGGATTGTTGGTGGCTCAGCTCTAAACAAGGATCTAGTGT  
CCATTTCTTCAATTATGTATGAAATTAGGAAATATTCAAGAACTTTTTAAGGTTGAGGGAATCAGAACGAAGA  
GCAAGAAATGAAGATCACATAATATGTGCCAATGCAGCTGTGTTCAACGTTTGGTTATGCACAACGCTTTCGTT  
TTGGTTCTTCGAAAAATATCCGGTTGACATGCATTACCCCTTCTATCACATTTCTGTGCCAAGACATTACATTAC  
CTGTGTCAACATTAGTTAATTTGCTGTGTACAATTTTACCATGGACCCTGATACACAAATCCTTTTCATAAAT  
CATCCCCACCAGAAAAATCCCAGAGGAACAGGACGAAGAAGCCAAAGTTAAACTGAAATATCACAGTTCGT  
TGCAAGATTCTGTTCCCAAGTTAGAAGAAAAATTAGGAAAAATGTCCTACATCTCTGGGACTTAATTTGCAAG  
AGTGAAATGTTTACAAAGAATTTCTTTT

>trans\_c\_5129 Novel Gene

ATGCTCCACCGCGCCCCATCATAGCTTTGATTTAAACCTATTTACCACCACCCATCCCCGCCCTCTCACTACC  
GGTCACTGCACCCCTTTCCGGCGTACGCCGCTGCCGCTGCCGCTCCAGAGCATATATTTTCTATTTTCATGTACC  
TGCCTTGAAGTGGTTGAAGGGCGTGAGAGTTGAGTTAGAAGCAACCTAGAGATAGCTATGGGAGTAGAGCA  
AAACGACCCTTTGAAGGGAGTAGAGCAAAAAGACCCTTTCAAGGGAGTAGACTGGAAAGCTGTGGGTGGGG  
ATATGCAGAAAGATCCCAGCTCTACAAACATTATAAAGAAAAGGCGTCCAACAAAAATTAGGCAAATCCCAGA  
TTATTATTTTCTTCTAGAAAGACCCCTTCTTATGTCATGGCATTCTATGGGGCCTGTATTGCTGGTGGTATCGG  
TGCTGGTATGCTGGTGGAGATGTGGATAAATGATAAAATTAATAAAGGATGGAGGTGTCATCTGGGAGTTTGA  
CAAGTAGAGTACAAGAGTAGTATGAAGTTGGAACAAGATCGTCGTGTTGCTGGGTTTTGTTTTATTGTTAATC  
TTAGTTATGGAACATGTAATGTAAGTGAACATCTTTAATGCCTCAATGAAGTTGTACAAAAATTGGAAGCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5130 NM\_001051158|Oryza sativa Japonica Group Os01g0817400 (Os01g0817400)  
mRNA, complete cds

[illegible]

>trans\_c\_5131 Novel Gene

AATGCATTCTATCAATGGAGATTGTAGCATCTATCGAATTCCCAAACAACACGCGAGATGAATCCTAAAGCAT  
ACACCCCTCAACTCATTTCCATTGGCCCTTTTCATCATTATCGACGTCAAATGATTTTAAAGCTACAGAACAAT  
ATAAGCTTCAAGCCCTTGTTAACTTTCTGCGTCGTATTAATAATAACAATGAGACCATGGAAGAAGATCAGGA  
CGTAAAAAAAAGTAGATCATTGGATGACCTCTTGAAAATCGGAACGTTGAAGGTTCTGGTGAAAAGGTTCA  
TTGTTGGATGACAGAACTCGGAATTGCTATTAGAGCCTATAGATTACATGGACGACCATAACTTTGTTATAA  
TGATGCTTTTGGATGCTTGTTCATCGTGAAAGTTTTATACAACAGTATGACGCATCTTATCCTCATGATCGTA  
AATTCCTCGTATCCAAGACAATGTAGATTTTTATTACTATACCCAGAAACATCCCAAGATATATCCAATGACT  
TGATAAAATTGGAAAATCAAGTTCCTTTCTCTCTTCAACATATGTTTCACATGATACCACAACATAGTCCTC  
CTGTGTCCTTTATAAATCTTACCTACAGTGCTCTTTATGATTGGTTCATATCTACATATAAGATTGTTCTGTGCG  
CATCGTCCCAATAGGCCAAA

>trans\_c\_5132 AB240195|Hordeum vulgare Agl4 mRNA for alpha-glucosidase like protein,  
complete cds

GTCTTGGTATGATTTTAGAACTGGAACATATATAAGGGTGGCGTTACCCACCAGATAGAGGTTTTTGAAGAA  
GGCATCCCTACTTTCCAAAAAGCTGGAACAATAATACCCAGAAAGGACCGATTTCGGCGGAGCTCTACACAGA  
TGGTGAATGACCCCTACACTCTGGTGGTAGCTCTTAATAGTTTACAAGCAGCTGAAGGCCAACTTTATATTGAT  
GACGGTAAAAGCTTTGAATTTAAGCAAGGGGCATTTCATTCACCGCCGGTTTGTGTTCTCAGACGGCAAACCTTA  
CATCATTGAACGTGGGACCAATAGCTTCTAGTAGCACTAAGTTTTCTTCCAAGTGTATTGAGAGGATTATA  
CTGCTAGGACACTCCGGAGCAAAATCTGCTCTTGTTGAGCCCGAAAATAGAAAGGTAGATATTGAGCTTGCC  
CACTTCACTTCTAAAAGGGCGTCGCACATCAGTACTTACAATTCGGAAGCCCACTTATTGATTACAGATGAT  
TGGACAGTAAAAATTGTGTAAGATTGAATGATGCACTTTTTATGTTGCATCGTAGGATTGAAATTGTTGTCCTC  
TGACACGTGAACTAATGACATTTGACAAAGAAGACATTAAGGCTCCTCTCCTGCTGATATGCGTTGTTTTAC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5133 XM\_002891446|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 4-kinase, mRNA

GTGGGTTCTCCTAATTCGAAGCAGCCCGTGAGAACTTCATCGTTAGTAGTGCAGGTTATGCCGTTGCCAGTCT  
GTTGCTTCAACCAAAGGATAGACACAATGGCAATCTTCTATTGACAATGTCGGAAGGCTCGTCCATATTGATT  
TTGGTTTCATACTGGAGACATCACCGGGAGGAAATATGCGCTTTGAGAGTGCTCACTTCAAGCTAAGCCATGA

GATGACACAACTTCTTGACCCCTCTGGGGTGATGAAGAGTGAGACGTGGAACCTGTTTGTAAGCTTGTGTGTA  
AAGGGGTACCTCGCTGCTCGCCGTCATATGGACGGGATTATAAACACCGTATTACTAATGCTAGATAGTGGAT  
TACCATGCTTCAGTCGTGGTGATCCAATTGGAATCTTCGAAAGAGATTTTCATCCCGAAATGAATGACCGTGA  
AGCAGCCAATTTTCATGATCCGAGTCTGTACCGATGCATATAACAAATGGACAACCTGCAGGCTATGATTTGATA  
CAATACTTGACAGCAAGGCATTGAGAAGTAGGTTTTTTTTTTGTTTTTTTTTTTTTAAATGTATAGTTTCTACTT  
CCTCCTATTTTATTAATTATTGAGTGAGTTTTCTCGACTGTATAAACGGCTAAACTATAAATTAATGGATGCGG  
TTTCAATTGGGTTGAGTAATCATTTT

>trans\_c\_5134 NM\_148717|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein  
(AT3G13224) mRNA, complete cds

CCGATTCGGAAATCTTCTCAAAACCCCTAAAATCAACCATTTTTCTTCTCGTTTCTACCCTTTTTACCGATCTTCG  
TCGGCAACGCAGGAATTCACCCACTTCCCATATCTCTGATGGCATCCAAATCGAAGAGCGAAAACCCCTCACAC  
CGGTGACGGTGCTAGCCCCGGGAAGATTTTCATTGGAGGCTTGGCGAAAGATACAACCTTACACTCAATTC AAC  
AAGCATTTTGGGAATTACGGAGAGATTACAGACTCAGTGATCATGAAAGATCGGTACACAGGACAACCTAGA  
GGTTTTGGGTTTATCACTTATGCTGATCCTTCTGTGGTTGACAAGGTTATCGAAGATACACACGTTATCAATGG  
GAAACAAGTTGAAATTAAGAGGACCATTCTAAAGGACAAGGTCAATCAAAGGATTTTAAGACAAAGAAAAT  
ATTTGTTGGTGGGATTCCATCAACGGTTACTGAAGATGAATTCAAACATTTCTTTTCCAAGTATGGGAAAATTG  
TGGAACACCAGATTATTCGTGATCATGAGACGAACCGCTCGCGGGGCTTTGGGTTTATAGTTTTTGAGGAGGA  
AGAAGTTGTAGATGAAATTTTGTCCAAAGGAAATATGATAGATATGTCTGGTACCCAGGTGGAGATCAAGAA  
AGCTGAACCCAAGAAATCTCAAACCCACTA

>trans\_c\_5135 AY390353|Actinidia deliciosa cystatin mRNA, complete cds

AAGCCATTC CATATAATCATTTCCATTCTTCCAACACTTTCAACAATAATGAATTC CCGCTCCGCTTTTACCTT  
CCTCTTCTCACCCCTCTCCTCACCCCCCTTCTCGCCGCTGCTTGGAAGCGCTCAGTGCCCGGCGGCTGGAGTA  
AGATCTCAGACGTCAAAGATCCGCACGTTGAAGAGATCGCAAAGTTCGCGGTCGCCAGTACAACGAGCAAT  
CCAAAGGCGTTGCAATCGAATTCAAAGGCGTCGAGAGTGGCGAAACTCAGGTGGTTGCCGGAACCAATTACC  
GCCTCGTGATCGATGCCAAGAGAGGCGAATCGATTGGCAAATATGAGGCGTTGGTTTGGGAGAAGCCATGG  
GAGAATTTCAAGAACTTCAATCCTTCAAGCCTGTTGCCTAATTAATCAGTAAAGCCCTAATTTACGTCTATTT  
TGCTCTTTAGTATTTGGTAATTAGGAAAAATAAAGTAATATTTCTAGTAATTTCTGGGCAAATCGTTTCTCTTG  
TCGTTTGTGGATTGATCTGTCTTTGGTTACCAGATCTTTGTAATTTTATATTA AAAAGATTTGTTATAAATGTATT  
GAATTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGAATGAATGAACAAATATAAAATTATAAGCGA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5136 Novel Gene

TACTGGACGGAATTTCAAGCAATTAGATTCGATTACACAAGAACCCCTAAGTTTGGGGCTGAACAAAAGGAAA  
GTCTAAAGTATGTAGGTTTCTGCTTTTTAGCCCACTATTTTTGGTAGTTCGATCGTGGAATTTATTTTTCTGT  
ATTTCCGGAATATGAGTGTGTGACTTGTTAGAATTGATCCTATGGATACGACAGAGAAGAAGTCGGTCATCTT  
GATGAAGATGATTTTATCTCGTTGGATTCAGTCTAGGCTAGTATCTGGAGCACAGAATATATGAAATAGAT  
TCCAAAATATTAGAACAAATATTAGAACTATGATTCATACTTATCAGACCTCGTGGCCGGACTCCGAAACTTCA  
CAAACAAGTGATAAATAAAAAAATTTATTCTTTCGTTTCTACTTATTTTGGTTAAAGGATAAACCTTTCTTTAG  
CTTTTTTATTATATTGATCATTGAATAAGCATTGAATAAGTGATAATCCAAGGGTTCTTACTCAGGGAATTTT  
TGAATTTTTTTTGGAAAGGTTTTTTATTGAATCATCGTGGTTCTAGTCTGAATCTAAGGTTTTAATTGATTCATAG  
GGTCTTAACAAGATAATTCCTATCAATAGCCCTCCAACAAGAGTAAAGTCGCATTACATACAAACCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_5137 NM\_148353|Arabidopsis thaliana small nuclear ribonucleoprotein-related / snRNP-related (AT4G18372) mRNA, complete cds

ATTTTAGGGGATGTTACTCCAAGACTCTCTTTTCATCCACGACAAGCCGAGAATCACACTCGGCTCCCAAGTT  
CGCCTCTGCTACGCCGGCTACCACCCTCTCTATCCTTCTGCAACCCCTGGATCAGTTGAAGTAACCATAGATGG  
AACAAGAATCAGGAGGATCCATGGTTCAGGATGGGAGCAATTTTGACTCTAACTCACAGAGTTTAGATTGCAT  
AGGAAAGGTGAGAAAGCTGCTGTTACGTCAATGCTCATAGGTATTAAGATGGAAGGGTTTTCTGGGGCAA  
CTTTTACTGCATTGACAAGCAAGGAAATATCATCCTTCAAGATGCAGTAGAGTATCGTAGCACTCGGCGTAGC  
TCACCTTCTCCGATGGAACAACGGTGCCTTGGTCTTATTCTTATACCCAACCTTTGCCGTGTATCTTGTTCATGTA  
GATAGTACCATCGATGAACAATTGGCATTGCTACCAGTTTAGCAAATATAAGATCAAGCCTGAGATTAAGAGG  
GGATGAAAAAATCTGCACGCTTTTTTGTGATGAATTTGACTGTTTCTATTGTTACAGAAAAATCCTAAAACAATGT  
GATGTTTTTAGTGGAATTATGGGATTAGGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG  
AAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans\_c\_5138 AJ786262|Conyza canadensis mRNA for ferritin (fer gene)

TCTCGAGGACCGGCCACGCAAAATAAACCTTTGAAACCAACCACAATATTAACCTAACACGTTAACAACAACAG  
AAAATTCTAACACAAATCATCATCTGCCCTCTAAACTAGAAACACAAACAACCACATCCAACCTGGACACCAT  
TTTATTTTCATATTTCACTAACTTTTACTCTATGCAGCAAAATCCCTTTGTTTATGCTTCCTCCTGAAGCAACAT  
CTGATCAAAGTGCCAACTCCGTGTCCCTTGCCTACTCTTCTTAGCTGTGCAACATACTCTGAGATTTTCTTGAT  
TGCTTCTACCTGTTCTCCCAAGAATTCGCTTAAAAGTTGAACTCTGCCTCAACAGACTTGGAGAAAGCCGAAGC  
CCAAATCGGAGTTGACGTACACAGTGCCCTGAATTCGTAAGAAGGTTGAGGTCCATTGTTGGGGATCAGTTAC  
TGAGGTCTACGCTAACGAGTCTCCAGTGTAAGCCACCTCCGAAGTCTCCATGTACTTCAAAAGTTCCAAAGGA  
GGAAGAATGTTGAGGCTGTTGGTAAGAGTCTGTATTTAGGTGCTCTCCGTCATGGGGGTTACTAATGTACATG  
GTGTCTTACTCTTATTTGCCTTTGAATTTGTGACCTGATGTGTGACATCTCGATATAGGCTATATATAAGACA  
GTTCTTATTTTCATATGTACCTCAG

>trans\_c\_5139 XM\_002866663|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WD-40 repeat family protein,  
mRNA

TTCCGTTTCATTCTTCATTCCAACCTCCCCGTAAGTGAAGAAATCTCTCTGTTTCATCGTCTCCTCCAGCTCCCCGT  
ATGATCTTTTAACTCTCTCCGGCCTCACAGCCGGCGTTCTTTTGCCATGACGTCCATCACTTCCGTGCAATTGA  
ATTACCTCGTCTTTCGGTACCTTCAAGAATCAGGTTTTATACATTAGCTTTTCGATTAGGGTATGAAGCTGGC  
ATTAACAAGTGTCTATTGATGGCAATTTGGTTCACCTGGTGTCTAGTTACTGTTGTACAGAAAGGGCTTCA  
ATATTTGGAGATGGAAGCTAATTTGAGTAATAACGATACAGATCTAGATGAAGATTTTCTTCTACAGCCTT  
TGGACCTTATTACAAAAGATGTCCACGAATTGCGTCAAATAATTAAGATAAAAGGAAGAGTTTAGTAAAAGA  
TAAAGAGAAAGATAAAGATTTAGATAAAGAACTGGAAAGCGAACGAGGACGTGTAAGAGAGAAGGAACGG  
CGTGAAAGTGAAGTTGAACGTGGACGTGCAAGAGAGAAGGAACGCCTTGAAAGGGAGAAAGAAAGAGTGG  
AAAGGGAGAAAGAAAGACTAGAAAGGGAGAAAGAAAGACTAGAAAGGGAGAAAGAAAGACTGGAAGGG  
AGAAGGAGCATGAAAAGGATAGAGATAAAATAGA

>trans\_c\_5140 NM\_122684|Arabidopsis thaliana Bet v I allergen family protein (AT5G28010)  
mRNA, complete cds

TTTTTCTTGCATATAAAAATAAAAACAAAATGGCTCAAATTTCCAGATTTCTGCAGATGTTCAAATAAAATGT  
TGTGCTGAGAAATTCTATGGTTTTTTTAGGAAAAATATGTTCCAATTGGCCAAATGTTCCCTAAAAACCTTCAT  
AATGGTGAATTCCTGAAGGAAATGACTTTACTACCGGCGCTCTCATGCAGTGGTCTTATGATATTGTTGGCC

TGCAAAAGCGAAGATAAACTGGCTGATGTGGATGAACAAAACATGTCAATCACATACGAAGCTGTTGAAGG  
AGACATACTAAGCGACTACAACCTTTTCAGAGTCAAGTTTCAAGCCTCTTCCAATGGAGAAAACGGCAGCGCC  
ACTGTGAAATGGTCGATTGAGTTCGAGAAGGCTGACGAGAACATCCCTTCCGCGGAAGCTAATTACCTGGACT  
TTGTTTCTAAGCTCTCTATGGGACTTGGTGCTTACCTTGCTACCAACTAACTAAATAAATAGCCACTACAACCTG  
ATGCTTACCTTTCTTGGAGATGCTGCAATGTTATTATGTATTATTATGAATGTATTTGGACTTTAATATAAAGG  
GGCAATTGCTAGGTTCAAATGGCCGTTGCTTTCCATTGTATTATATATAGTAGTTAGTAGTATTCGATCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5141 NM\_118713|Arabidopsis thaliana XTR6 (XYLOGLUCAN ENDOTRANSGLYCOSYLASE 6);  
hydrolase, acting on glycosyl bonds / hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds / > (XTR6) mRNA,  
complete cds

CCAAACACACACACACACACACATATTATTCAAATTCCCCCACGCTCACACCCCCACTTCACTTCTTCTC  
AAATTATTCAAACATATCTCATGGCTCCTCCTCCTTCATTTTCATCTCTCTTACTCTTCTCTCTCTGTTT  
CCTCTGTCTTTGTAGTAACCTTTACAATGACTTTGAAATCACTTGGGTAATGACCGTGCCAAAATTCTCAATA  
ATGGTGACCTTCTTACTCTTTCTTTAGACCGAGGCTCTGGCTCTGGCTTTCAGTCTAAGAATGTTTACCTTTATG  
GTAAATTGATATGCAACTTAACTTGTCCCTGGAACTCTGCTGGCACTGTCACTACTTATTATCTTAAATCCC  
AAGGCTCGACGTGGGATGAAATAGACTTTGAATTCTTGGGAAATCTCAGCGGTGATCCTTATACTCTTCATACT  
AATGTTTACACCCACAAGAAAGGCGACAGAGAACAACAATTTACCTTTGTTTGATCCTACCTCTGATTTCCA  
CACCTATTCAATCCTCTGGAATCCCCAAGGAATCATATTCTCGGTAGATGGAACACCGATCAGAGAGTTCAAG  
AACCACGAATCCTCGGGCGTTCTGTTTCCAAAAACCAACCGATGAGACTGTACTCGAGTCTATGGAACGCGG  
ACGACTGGGCGTGGCT

>trans\_c\_5142 FJ460228|Glycine max glycogen synthase kinase (GSK-3) mRNA, complete cds

TACACAGAATTCAAGTTTCCCCAAATTAAGGCTCATCCATGGCACAAGATATTCCACAAGAGAATGCCTCCAGA  
AGCTGTGGATCTCATTTCAAGATTACTTCACTACTCTCAAACCTCCGAAGCACAGCGTTGGACGCTTTGATTC  
ATCCGTTCTTCAACGAACCTCCGTGACCCAAAACTCCTCTGCCAAACGGACGTTTCTTCTCCTTGTTCAACT  
TCAAGGCTCATGAATTGAAGGGAGTACCTCCTGAGATGCTTGTGAGGCTTATTCCAGAACACGCAAGGAAAC  
AATGCAATTTTCTTGGGTCGTAAAGCGGTCTGGTAGAACTCTAAACCTGCAGTGACACATAAGCCTGTAGAA  
AGTAATAGCTAGCATAAAATTACAAATGGAAACCCCTATTATTTGTTATTTTCTTCCCTGTTTAATTTGGTCCCA  
TTCCCTATTATTTTTCATATCCATGGCCGCCCTTGTGTGTCGTGAGAAATCAAGTTGAGAGATGGGTCTG  
CTTGGTATGATCTTAATACCTGCCCTTCATTTGTAGTTAACAACAGATTGTAATTCCTTGTGCAATGAACAT  
AACCTTGGAATATGCTCATCAGCAATTTGCCACTTCAATTACCATTTCGTGAAGATTTGTTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5143 XM\_002314043|Populus trichocarpa cinnamoyl CoA reductase-like protein (CCRL4),  
mRNA

GTTAATGTCAAAGATGTTGCTAATGCACACATTCTAGCTTATGAGGTTCCATCAGCCAATGGAAGATACTGTCT  
GGTTGAAAGCGTGATTCACTATTAGGAATTGTCAAGATATTGCATGATCTCTACCTTCACTTCACTTCCAG  
ACAAGTGTGCTGATGACAAACCGTTTACACCCGTGTATCAAGTCTCAGTTGAGAAAGCAAAGAACTTGGGCAT  
TCAATTCATTCCCTTAGTAGAAAGCCTGAAGGAACTGTTGAGAGCTTGAAGGAAAAGAAATTTATCAACTTCT  
AACTTTTAGGTATCTTGAGAGCCATGAAATTGTGTGAATTTTCTGACAGAAAATGATTTAGGTAAAAAAGT  
AAGTGCTTTGTGTGAGGCCTTGAATTGAAGCTTTACTCGATGACTTCTATGATTTTCTATTAGTTAAGTGTA  
TAAATTTCTTCATGTCATATTGCCCTCTATTTTCATTCTTTAGAAAGGCCCTCTATCAACTCGAAAAAAGTATT  
CTGTACTGCTTTCTTGCTTTATTTTATCATGGCTTAATATATTAAGTTCTCATTGCTTAATACAAAGGGAATCTT

ATATCCAAATCTCTTGTGTGGACTTGGCAAAAGAGCTTCAAGAATACTTCATATCCGAATCTCTTGTGCGATCC  
TCAACAAACACAGCAGTCACTAATTCAACAATGGCCGCAAAATTCCTCTTTTCTTCTTCCCTTACCGTCAAATTT  
CCTCTCCAACAAAACCTTCTTCTTCTTCTTCCCTCTTCTTCCCTTTTCTCTCGCCAAAGCTTACGCCAAC

GCCTTCTTCTCACTTCAAGCTTCTAGCAAATTTAGGGGGTGGCGATGCAGAAATCAAGAAGGGAGGGAAGAA  
AAAATTTATAACTAAAGAAGAGGAACACAGCAGTATTGGCAAACAGCAGGGGAAAGGGAAGGGGAGAATC  
CTATGAAGACTCCTCTTCTTATATCATCATCTTCGGTATGTCGACTCCGTTCTGTATCTTAGCCATAGCTTTCG  
CCAATGGTTGGGTAAAGTTCCTGTGAGATGAATCTGTACAAACTCATTGTGCAAATGCAAATGCCAAGGGAA  
CAACACCATGAGAGTAACCTGAGATCTTCACAGCGCACAAAACCCTCTGTTTATGCCTGTTTTGAGTTGTAAT  
GTTATTTACAAGCTAAAACAAAGTATAGTAACTCAGCTCCTTTTCGATGATTGAGTGTGGATTCTTTATCC  
CCCCATTTCAATGCAAGTATTT

>trans\_c\_5148 XM\_002893068|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata opc-8:0 CoA ligase1 (OPCL1), mRNA

AGGCAACAAATTCAACCCTCGACTCGGAGGGATGGTTGAGAACCGGTGATCTGTGTTATATCGACGAAGATG  
GTTTTATTTTTGTAGTTGATAGGCTTAAGGAACTCATCAAATATAAGGGTTATCAGGTGCCACCGGCAGAATTA  
GAGGCATTGTTGCTAACTCATCCCAACATCTCCGACGTAGCCGTGATTCCATATCCAGACAAGGATGTTGGAC  
AGTTTCCTATGGCTTATGTGGTAAGAAAGGCCGGAATGACCTTTCACACGACGATATCATGCAATTTGTAGC  
AAAACAGGTGGCACCGTACAAGAGGATTCGACGGGTGGCGTTCGTGGATTCCATTCCAAGAATCCGTCCGG  
TAAAATTTTGAGGAAGGATCTTATAAAGCTTGCAACCTCCAACTCTAAATTTAACGATCTTTATATAATCTGG  
ACCATTGATGAGATCGTTAGATGTTGATGAGATTTAGTCCATGTACACAAAGTCGATATACTATACGTTGATTG  
TAACGACGTCGTTTTGATACAATTGTCATTTTTTCTTTTTAAATGTTGAATGTATAATAATATGTATGAAGTTG  
TATTGAGAATAAACTTAATAGAAGTCAATTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
ACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5149 GU732441|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D17)  
mRNA, complete cds

AGAAGAAGATTGGAAATAAGCGTCTGAAGAAGACTTATAGAGGCGTTCGGCAGCGGCCGTGGGGGAAATG  
GGCGGCGGAGATCAGAAATCCGAACTGGCGACTAGAGTTTGGTTAGGGACGTTTAATACTGCTGAAGAAGC  
TGCTAGGGCTTATGATAAGGCGGCTTTGGAGTTCCGAGGGCCGCGAGCGAAGCTTAACTTTCCGTTTACGGAT  
GACTCGTTGAGAATGATGAGTTCCGAGCGGGAAATACAGAGGACGGAAAATGAAATTTCTAGAAACGGTAG  
CAATTCGTCGGGGAATGGAATCGGGAATGAAGACGAAATATGGGGAAAAATTGCAAAAGATGAAATGGATC  
AATGGATGTCGACGTTGATGACGGATCACGGTGGCGATTCTGTCGGATTCCGCCAGTATTGGAACCTGGGAAT  
TTTCTTGATTCTTTTCTAAGATTAGAATAGCAATAATAAAAAGTTTTGCTTGTAATTTTATACAAAAATAT  
AGTTAGTGAATTTTGATAGCATCCATTTTGGCAGTTCTCCTAAGTATTTTTTAGGACAACCTACCAACTTAACCT  
AAATTTTGGGTGTTCTAATACCCATATCAAATTGGACATCAATTTAATCAATTGTATAAGATATGGGTGTATTT  
ACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5150 FJ708729|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

GACACAGGTGGGTAGGTACATTTACACCACTCATTCCGCCCCGCAATCGTTCACTACAATCTAAAGCCAACCAA  
CATCCTCCTAGACGAAAACCTCAACCCAAAGATCTCCGATTACGGGCTCGCAAGACTCCTAACAAAGCTTGACA  
AGCACGTCGTGAACAACAGATTCCAAAGTGCAATTGGGGTACGTGCGACCAAGAACTAGCATGCCAGAGCATAA  
GGGTGAATGAGAAATGCGACGTACACGGTTTCGGGGTGATGATTCTAGAGATCGTGACAGGACGAAGGCCA  
GTGGAGTATGGAGAAGACAATGTGGTTATATTGACAGACCATGTGAGGTATTTGCTTGAGAGAGGGAATGTG  
TTGGATTGTGTTGATCCAAGTATGACTCAATATTCAGAAGATGAAGTTGTGCCTATCCTCAAATTGGCTTTGGT  
TTGCACTTCTCAAATCCCTTCAAGTAGGCCTTCCATGGCTGAAGTTGTGCAGATTCTTCAAGTTATCAAGGCTC  
CACTTCCTCAAAGAATACAAGGATTTTGAGACAACCTCTCAATTTCAATTCTCATTTTACCTTGCTTTATTCTCTT

TTAATCTGTTATTATAATGGATTGTTCTTAGTAGTTAGTTTTTTTCATTCTTGTGTTCTACATTTTAGAGGATGA  
TGTGAATTAACCTAATGATTCTGTA

>trans\_c\_5151 Novel Gene

GCGGTGCCACATTACAAAGAATCTTGAGATATGGCAATTTCAATTTCTCGACTCGGAAATTCCATTCCCTTCTCC  
GGCCTGTTTCAGACAGCTGGAGCAGGAGATGGAACTGTCATAAGGGTTCTGCAGCCTGGACCTCTGGGAATT  
ATTGAACACAAGTTTTCTGCTGAGGAGATGCGCCGGGCACAATCCACTGTTTCGGGAAGCAGTTAATAATTGGC  
GAAGGAATACACTTATTGAAAAACAAAGCTGTATTTCAAGTAACCATAGCTAGGAGAGAAATTGTTTCCATAG  
TGATCTTCAAAAACATCTTGATAATTTCTTTATTAGATTCTCAATAAAATTAGATCAAACAGTGTCAATCACAA  
AAAAAAATATGAAATTGATAATACTAATGAGCCTTCAGGGTATTATGCATTTGTTTGAAGAAAGTTTTGTGGG  
CCATCCAAACTAGGTTCGGAAGAAGCGTGTAGCAGCTAAGGTTACATGTGGATCTTTTCCTTTGTAAATTCTGTT  
AGTAACACATTGTAGCGATGGGACATATCCGAAGAGAGTGACGAAGAGTGTGATGTAAGGGAGGGGAAGTAT  
TTAGTCATATAGTAGGGAAGAAGCTTCGGACTTCGATCTTCATTTGGAGTGCACCTTGAACGTATGGTGGTTTTTT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5152 AF358665|Mercurialis annua ribosomal protein L32 mRNA, complete cds

AGGAAACCCTAGTCTCTGTGAGTACTTACTCTCCATTCCGCCGCTAGGGTTTCTCTCGTTATTATCCTCTTTGAA  
TGATCGAAGCTGGGACGGCCAAAGGAAACCCTAGTCTCTATATAAGCGAAAAATGGCGGTGCCTTTGCTGTCTG  
AAGAAGATCGTGAAGAAGAGGACCAAGAAGTTTAAGAGGCCTCAAAGTGATCGAAAGATCTCCGTCAAGGA  
AAACTGGAGAAGACCCAAGGGTATTGATTCTAGAGTTAGAAGAAAGTTTAAAGGATGCACATTGATGCCAAA  
TATTGGTTACGGCACTGACAAGAAGACCCGTCACTACCTGCCTAATGGGTTCAAGAAGTTTGTCGTTTATAAT  
GTCAATGAGCTCGAACTCTTGATGATGCACAACAGAACGTACTGTGCTGAGATCGCCCATGATGTTTCGACAA  
AGAAAAGGAAAGAGATTGTTGAGAGGGCAGCTCAACTCGATGTTGTAGTTACCAACAAGCTTGCTAGGTTGC  
GCAGCCAAGAAGATGAATGAACAATTTAGATCCTTTTCATGCCAGTTTTTTCATCATGCTTTGTAGTGAGATTTT  
GTTAATATATATCCCTTTTTTGGTTCAAGAGATTTTGGTATTTGATGACCGTCTGAATTTTACAATTTGTCATT  
AATACATTATAATTTTGAACCTTGATTTAAA

>trans\_c\_5153 XM\_002876003|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata clathrin adaptor complex small  
chain family protein, mRNA

TAGAAACATTGGACAAGTGCTTCAAAAATGTATGTGAGCTTGACTTAGTGTTCAACTACAGCAAGATGCATTC  
GATTTTGGATGAAATCATTTCTGGTGGCCAAGTGCTAGAGACTAGTTCTTCTGAAGTGATGAAGGCTGTTGAA  
GAAATATCCAAGTTGGAAACAGCCTCAAATTCTATCAACTTTGTCTCAAAAACAGTTTCTGGTTGGCGGGGTTG  
AGTTCGTTGTTTTAACCGAGTTGGCAACACGAAATTTCAAGGCATTCTTTAGATGCCTTGCCTCGAAATTTTG  
CTAGACCTGTTGTTGGTTTTGACTGATTAGTGTGGATAGGCAAATCTCCAAGCTATTCGATTCGAAGACAACAC  
GTATTTGCATCATTAAATTGACAGATTTTCAAGATGGCTGCTGAGTAGAGCCACTTATCTCAACTAGTTGTGTTGGT  
TCTTAATGGCCATGCTCTCAAGCATCTACTTGACATATTATTTGAAGACTACTTGCCTCACCTGGATTTTGAT  
TCTATTTACAATTTGATGAAAAGCAGTTTCTCAAAAATATGTTGAATGAATCAATTTGTTGAGAAAAAGATTAAG  
GTCTTTTCATCTTCAATGTTAGATTTTCAATTTTCAAGAAGTTCAATCAATATGATGTCTCTTTAATTGAAAAA  
AAAAAACGAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5154 DQ226967|Boechera divaricarpa isolate AD-C5 mRNA sequence

ATCGCCATTCCAATTGATTTCCATTTCCCCATTTTGTTCCTCTCTCCATTTCTTTTCTCCTTCTTTCAATTTCAAT  
CTGCTGTAGAAAAAATGAGTAAATTTTGGACCTTGGTTACCCAACCTTCATACTCTTTCTGGGCCTGTTTTGATGT  
TGCTGTATCCTCTATACGCGTCGGTGGTAGCCATTGAAAGTACCTCTAAATTGGACGATGAACAGTGGTTGGC

TTACTGGATCATCTACTCCTTTCTCACTCTCATGGAGATGGTTCTTCAACCTGTATTAGAGTGGATACCAATTTG  
GTATTCGGTGAAATTGGTATTTGCGGCGTGGCTGGTTCTGCCACAGTTCAAAGGTGCAGCTTTCTTGTATGAA  
AGATTTCGCAAGGCCGCACATTAAGAAATATGGTGTAGGAGGCAGTTCTGCTGATGCCAAACCAAGAATCAC  
TAATTACATAATTATGGATTAGAGAGGGGAGCTGGAATCTTGATGACGAAGGTATCATAAAGGAGAGTTTGGT  
TGCTTCGTGGTGGACCATCTTTCTGGATTTGACTTCTTTTGTCTGTTGTGTTTCGTTTGTGTTGTCTAAATAGAA  
CTTGTATTGGACATCCTTGTAATGAAACAAACCCTTTTTTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5155 U66276|Cucurbita maxima phloem filament protein (cPC7) mRNA, partial cds

GACACCACAAAATCTTCAATACTATATATCAAATATCAACTAAAGATCAGTACAAGAAAATGACACTTGGTATT  
GGTGGAGGAATCAGTATCGGCCTTGGTATTCCTGGCATCAATATATCGATCGGCGGAGGCATCGGTATCAGG  
GGTAGAAAGGGGGGGTGAAGAGTCATGATCCTTCAAAAAATGGACTGAAATTAAGAGTGTGAACGATCC  
TGCTATCATAGAAATTGCTAAGTTTGCAGTGAAAGTCTTCAACCAAAACATGGAAACAATCTCCAGTTTCAAG  
CCGTTTTGGAAGCTTGGGTTGTTGTTTCATGTTGATGGCAAGAAAGAGTATAGTATTGAATTAGTAGCAAAAGA  
CTGTTTGCATCGTTGCCTCCAGTATCATGCTGTTGTGATTGAAATCTGTGGCACTCCCCCTGGCTGGAATCTTGT  
GTCTTTCAACCAATCGTCGAGGAAAACCTGAAAAAGTTATATGTATAATCGAAAGTTTATACTTATATATGTGC  
GAGATCTACGCAATAATAAATCTTATATGATACCGTAATGTTGACGATCTCTACTTTCTTCTTCACTATATCTAT  
TATAAAATAATCGAGGTCAAACGACGTTTTTAGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5156 DQ875136|Nicotiana benthamiana myosin XI-F mRNA, complete cds

CATGTAAATGGAGATATGCCCTGGAAGCAGTTGGTAACAGTAATAGGTTTCATGAACTGGATTGCAAGACTT  
GCAATTGTTTCGTCGTATACAGGTGGTTACAAAACACAAGGTTCTCTGGTTGAAGACCGAATGTGCGTTCTAT  
GGATTTTTGGTTTTACGAAATCGAAGTTTCTTTGGTTGAAGACCAATATGGTTGTGGATTTTGGTTTGGTATG  
ATCTGATTTTTTTGCCAACATACCAAGTGTGAATGCTTACCCCGAGGAACGTGCTGGTACATATACATACGT  
GGCTCGAAAGACAGGAGATCAAAGCCAAGAGGGAGATTCCAACCTTTCCCTTTGCTTGATGTTTTGGTCACGA  
GCCAAGTTTTTTTTTCCCTTGAAGCCGAATGTAGGAAGTACCTAGTAGTGCTCTACTTACCATAATTTCACTG  
GGGGTGGTTGGTACACAATTGTACTTTGATTCTATGCGTGGGGCAGTGAATCAGAAACATCAAAGTTATACTG  
TTTCATGTCGTATATGGAACCGTGTGATTATGGTGTGTTGCTATCGACTAATATATATCAGTTTTATTNNA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5157 CT028676|Poplar cDNA sequences

CAATCGAACATTTGTAACCTCTATGGCTTCTGATGCTGTTTCATGATCTGAATTCCTCGTTTCATCCGAGGGGA  
GGGACTTTCTCATCCGAGTAATGGCGATCAGGTGAAGATCAGTTCTTTAATTGGGAAGAATGTGGGATTGTA  
TTTCTCCGCGTCATGGTGCCCTCCCTGTCGCCGTTTCACTCCAGTTTTTGTCTGGGGTTTATGAGGAATTAGTACC  
TAAGGGCGAGTTTGAAGTTATATTCAATTTCTTCTGATAGAGATGAAGATTCATTCAAGGATTACTTCTCTAAAA  
TGCCCTGGTTGTCTATTCCGTTTTCTGATTCCGAGATCGTTAAGCGCTTGAAAGAACTTTCAAAGTGAGGGGA  
ATTCCTCATCTTGTGTTCTTGACCCAGTGGGAAGGTTTCAACTGATCAAGGAGTGAGACTAGTGAGTGAAC  
ATGGGATTAATGCCTATCCCTTTACTGCTGAACAGATCCAACATTTGAAGGATAAAGAGGAGGAAGCGAGGA  
GGAACCAAACCATTAGTTCCTTTTGGTTTCGAACTCTCGTGATTATGTTATCTCAAATGGTGGAAATCAGATT  
CCTGTCTCTGAGCTCGAAGGGAAAGTGATTGGGCTGTACTTCTCAGTGTACGGCTACGCCCTGTGTGATGAGT  
TTACGCCTATTTTGGTTGATACTTA

>trans\_c\_5158 Novel Gene

GATATCTTTGTCTTAAGAAAGGAAAAAAGAAACTGCGGCATATTGTGTTTTGGATTCTCGGGCATCGTAGGA  
GTAGCTTTCTTTATAATCTCAATGCTAATATCAAGTTATGGGATAGGCGTTGGTAATAAGCTTGAGGAGCGTT  
GGCATGCAAGGTTTTTGCAAGTATTTTATTTTATTTTATTTTACATTTTCAGTTGAAGAACTGAGTAATCTGCT  
GTTTTAGTTGTAATTTTGGATTTTCATCGGTTAATAACAACCATTCGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAAATTTATAGAACCCCCCCCCCCCCGGG  
GGGGGGCCCCGGCCCCATTCCCCCAAGGGGGGGGAAAATACCGGCGCCCCCGGGCCCCCTTTTTTAAAACCC  
CGGGCGGGGAAAACCCCGGGGTTTCCCACTTAAACCCCTGGCCAAACCCCCCTTTTCCCCGGGGGGGAA  
AAAAAAAAAAGCCCCCCCCCGCCCCCCCCCCCCACATTTTCCCCCCCCGAAGGGGAAAAGGGACCCCCCCCCG  
ACAGCCCCCTTTAACCCGGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_5159 AY062777|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g07570; MLP3.2) mRNA,  
complete cds

ATGTAGTTCTTTCAAACAAGAAAAGAAAAAAGATACATTGTTTTAAACGACGAGTCGGAACCTTGTGGAGC  
TTGTGTGGTTCGTTCTTGAAGAAACCGGCGAGAGGCCAAAATGTTGAGAACTCGATTGTTTTGGTTCAGTATT  
GGATTTCGCGACTACAGCTGCTTCCATTCGCAATTCGTCTGGAGAGACCTATTGGCTCATCGATCTGCTCTTTT  
ATCTGATATGGAGCGGAATTTTGATGCCCTGGAAGCTAGAATCTCAAATCTCGAATCCGTTTCGAAACCGGAAT  
TCGATTTTCATCTGCTGAGAAGGCCAATGACTGATTGTTGGTGGAGCTCGTTATTTAGTTTAGCACACAGAGGG  
GAAGCAATCTCATGAGGTGTTATTGTTGGTGGGATTTTGACCAATATTTATGCAGGATGAAACCCCATGCAA  
AAGTTATAACTCTTTTCTTTCTTCCCTTTTCTTTCTTCCCTCAATAAAAAATGGAGAATTTTGTATAAAAAAAGT  
GAACTGAACACAATTATCCTATTTGAATCCTTTGAAACAATCCTTTGTTTCTCAGTAAGACAAGGGAGGCTTAG  
CAAGTTTCTCACTGTTGAGTTGAATTTAATATCACTCTTGTCATTATCAATTCTCAAATTGAGGATGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5160 U97530|Prunus armeniaca ethylene-forming-enzyme-like dioxygenase mRNA,  
complete cds

ATCATCATAAACAAATGGCACAAAATTCTCAGATCCCACAAACACAAACACTCCAACAACAACTTCTCATCAAT  
GGCGGCCATACGCCGAAAGTTATATTTACAAAGGCGGCTACCACGGCGGAGATTTCAACAATAATACTCCAC  
TTCCATTGGCACAGATTCCGGTCTTGACCTTTCTCAACTTTTCATCTGCGTCGGTGGGCGAGGCTCCGCTGAAC  
CACCTCCGGTTGGCTCTTAGTACTTGGGGATGCTTTCAGGCAACTAATCACGGTATTTCAAGTTCATTTTTGA  
GAAAATGAGAAAAATAAGTGAGCAATTTTCTCATTGCCATTGAAGAGAAGATGAGATATGGAAGAGAAGT  
GGATGGAATGGAAGGATACGGGAATGATTTAATTTTTTCAAACCAACAAATTCTAGATTGGTCCGATCGTTTA  
TATCTCGTGACACATCCTAAGGATGAAAGACGTCTCGAGTTTTGGCCTTTAAATCCTCCATCTTTCAGGGAAGA  
TCTACTTGAGTATACAGTAAATTAATGGAATAATCGAGACAGTGCTGATAGCCATGGCAAGATCCCTAAAC  
GTGGAACCAATAGCTTTACCGATCAAGTAGGAAAGCGAACAACCTTTATTCAAAGGTTCAATTTCTATCCGCC  
GTGTTTCGACACCACATCTTGTTCTT

>trans\_c\_5161 DQ191666|Solanum tuberosum glycoprotein-like protein mRNA, complete cds

AACGGGACTTTTGTATTGATCCCCCTCCATCGGCGCCGCTGCTCCTCACAGTTGCTAACCCTTAGCCACCAAAA  
ATGCCTTTCAAGCGGTATGTTGAGATCGGGAGGATTGCCCTCATCAACTATGGTGAGGATTACGGGAAGCTTG  
TTGTAATCGTTGATGTAATTGACCAGAACCGGGCTTTGGTCGATGCCCTGATATGGAGCGTTCTCAAATGAA  
CTTTAAGAGACTCTCCTTGACCGATATCAAAATTGATATTAAGAGGGTCCCGAAGAAGAAGGAACTGATTGAA

GCCATGAAAGCTGGGGATGTTTCAGAAGAAATGGGAGAATAGCTCTTGGGGCAGAAAATTGATTGTAAAGAA  
GAGAAGAGCCTCACTCAATGACTTCGACAGGTTCAAGCTTATGTTGGCGAAGATTAAGAGGGCTGGATTGGT  
TAGGCAAGAGCTTGCAAAGTTGAAGAAGGCCGAGGCTTAGAGGTTCAATTTTCGAAGGGATTTTCTCATTTTG  
CTCTTCGACTTTCTTTAACTTCTATAGGTCGTTGATTATAGTTCAAACTTTTTGTAGTAGTATTATTGCATTA  
AGTCATTGTGTTCCACCAACTTCTCCATTTTAACTTATTACGCCAATTTCTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5162 FJ054573|Pinus taeda isolate 4840 anonymous locus 0\_14360\_01 genomic  
sequence

ATGGCAACTCCGTCGAGCTCTGAGATCCTCTCGCTCTTCGTTCTCTCCTGCGAACGGCCCGTCAATTCCTGAT  
TACAACATCAGAGAATACATCAAACGCCGTACCATTGATTCTTCCGAGAAAATCAGAGTCTCTCCGACGCTTC  
ATCCATATCCTCCGCCTACGCTGGCGGCAGAGCTCAGCTCGAGGTTGCCAAGCGCCAGGCCCTTGTTTACTCTC  
TTTACGCGCCTAAGGTCAAGAGCATCATGGATGTCAACCATTGATTTCAATTTCTTTTGTTTTTTTTTTTTTTG  
TTCGATGAATTTGTAGTATTTGAGAATTTTGTGAGAATTGAATTGTAACTGACATTCTGTTGTTATTAATTAT  
GAGCAAATTTTTTCCATCCCATCCTGAAATTCTTTCGAGCTTAATTTGAAAGTAAAATTAGGGATTTTTTC  
CCTTTGAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTATCAAC  
CCCCCACCCCCGGGGGGGGCCCGGGCCCAATCCCCCAAAGGGGGGCGAATTAACCCGCCCCCGGGGC  
CGCGTTTTTCCACCGCGGGGCG

>trans\_c\_5163 AY290723|Triticum aestivum acidic ribosomal protein P1a-like mRNA, partial  
sequence

TAAGCGCATTTTGCCTCCAATCGTCTCCTAGCCATCTATTAGCCATGTCTACAAGTGAAGTGCCTGCGCCTAC  
GCCGCCCTGGCTCTTACGACGATGGAATCGCAATCACTGCGGAAAAGATTGCAGCCGTTGTAGCAGCTGCG  
GGGCTCTGTGTAGAATCTTACTGGCCTAGCTTGTTTGCTAAATTGGCGGAGAAGAGGAACATTGGGGATCTTC  
TTCTTAATGTTGGATGTGGAGGTGGCGCTCGGCTCCCGTGGCTGTAGCTGCTCCTACCGCTAGTGCTGCTGT  
CGCTTCTGCCATCGAGGAAAAGAAGGAGGAGCCAAAGGAGGAGAGCGACGATGACATGGGATTACAGCTTAT  
TCGATTAAGAGGCTTTCTTAGCTTTGTAGGATTTTATTAGGAACTATTGGGTGGGTAGCTTAATCTTGATTTT  
CCGCTGTTGGTCTCAAGATTTGTTTTTTTAAATAGGCCGTTTTGAGTTTTGATTTGCCTTCAATGTACGATGGTA  
ACTGCATCTTTTCACTCTTTTCTTAACTACACATTGGAATGAGATCAAACTTTATGAGAGGAATCTTTGGTT  
AAACCTGAAACCACGTTTTCTTGGTTTATGATTTCTAGGTTTAGTTAATAAGCACTTTTGAAATCAAAAAAA  
AAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5164 NM\_001057140|Oryza sativa Japonica Group Os03g0597200 (Os03g0597200)  
mRNA, complete cds

CTATAATCCTGTCAATTCAAGCATTGTTCAAACGGAACAGAACTCATGAAGCCATGAGACTTTTCAGAGAGATG  
TTAGAGAAATCTGAACCCCCAGATGCAATAACATATAGGATTGTTTATCGTGGTCTCTGCAACGGCGGAGGGC  
CGATTGGAGAAGCAGTGGACTTCACGGTCGAGATGATAGAGAGAGGAAACATACCAGAATACTCATCATTTG  
TTATGTTGGCCGAAGGTCTCTATACTTTGTCCATGGATGACACCCTTTTAAAGCTTGTTGATATGATAATGGAG  
AAAGCTAAGTTCAAAGAGAGGGAGATATCTACTATAAGGGGCTTTCTCAAATCCGAAAATTTCAAGATGCAT  
TGTCAACTCTTGAGGTATCTTGACGATATGTATCCAGAAGATCGTATCGAGGAAGATGAGAATGAATTGT  
TGTTTTTACTGCTCATGGAGGTATTTGTACGAACTAAAAACATTATGTTTTTGAAATGTAATTGGAAATTAGT  
AGAAGTTTTAGAGGCCAATTTGCTGCCATTGCTATCATATCTAGCTGACTCCATGTAACCTTCCTATACTCTCC



ATCGAAGTTTAAAGTTTAGATATTGATAGAAACATTTTATTTACTATAGTTATTCTAAAGGCTCTACTAATGGAA  
GTTAAAATTTGATCAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5165 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

CGAAGAACCAAGTAGTACGATAACGAAATCCCAATACATACTACATTGATCTTAGTAAAAGGTGCTTTAG  
ATGCACGTGGTTCCAAATTAATGCCGGATAAAAAGGATTTTGTTATAGTTTTCTTGCGACGGTCCGGGACG  
AGGTGGTACTTGTGATATTTGCGCTGGGACGCCTTTTATTTGGCAGTTTTCTGGATGTTAAATACCATTGGAT  
GGGTACTTTTTATTGGCACTGGAAGCACATCATTATGGCAGGGTAACGTTTCACAAATTAATGAATCTTCC  
ACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAACTCTTCACAACTTATCAATGGATATAATCCTTTT  
GGTATGAATAGTTTATCAGTCTGGGCATGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGGCTTTATGTT  
CTTAATTTCTGGCGCGGATATTGGCAAGAATTGATTGAAACCCCAACATGGGCTCACGAACGCACACCTTTG  
GCTACGGGTGCGGATCGGGAGAGATAAACCAGTGGCTCTTCCATTGTGCAAGCAAGATTAGTTGGATTAGCC  
CACTTTTCTGTAGGTTATATTTACTTATGCGGCTTTCTTGATTGCCTCTACATCAGGCAAATTTGGTTAATTTT  
GTATGTGTTGTATCCGCGAAAA

>trans\_c\_5166 NM\_001185296|*Oryza sativa* Japonica Group Os01g0206600 (Os01g0206600)  
mRNA, complete cds

CTTCTTGATATTTTGACGAAACGTTATCCTAATTTTGCGAAGCTGAAATATCCGAAATTTGACCTCTCTACTTT  
CCTCTTGAGATCGCTGTGTAACGCCGACCACCTGAACCTAAGAACCTAATGACCGGAGAAGAGGTTACTGGTCC  
GGCGGGCCCTAAGATTCTCCGTCTCCTCTATTTGCCGGCGCCGATTCAATTCAGCTTCGCCATAAACAAGT  
GGCGGGAGATCGAGCGCAGTTCTCTGTTGCAACAACACCAGAAGCAGCGGTTGAATCATCAATTATCCGAAT  
CTCGTAATGATACTGTGCAGAAAGTCGTCAATGATCTCAGGGGTGGCTGCTCAAGGATCTTAAGATGCTTTC  
AGCTCAACAGTTAAGTCCATCATTTTCAACCAGATTTCTTGTTATTGTTGAGAGTACATGTAGGATTATTGATGT  
TTCTTAGCTATGCTGCTGGGTAGATTTTAGCCAAAATACCAAGAAAATGTTGCCTCTATCAATAGAAGTGTTC  
TTCCTTTCATTCTAATCCAGCCATCTCTGTCTCTAATCTCTTTTATATGTACAAGTTCATCATGCTCTGATGG  
AAACATTATTTTCACTTATCTGACAAAGCGTAACTTAGAAGAAATTTCTACCTTTTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5167 XM\_002879798|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* yippee family protein, mRNA

TCCACATTTCTTGTAACCTGCGACTAACCACAAGAAGATAGTCATGGGGAGGTTGTTGTTGTGAACCTTGAA  
GGAAGGATCTATAGCTGCAAACACTGCCGAACCCATCTTGCTCTTTATGAGGACATAGTTTCCAAGACTTTCCA  
AAGCAGACATGGAAAAGCTTACCTCTTCAATAAAGTAGTGAATGTTTCTGTTGGAGTGAAAGAAACGAGAAT  
GATGATGACGGGAATGCATACTGTTGCTGATATCTTTGTGTTGGCTGTGGATCAATTGTGGGATGGACATAT  
GAAACTGCCTTTGAGAAAAATCAGAAATACAAAGAAGGAAAATCGGTACTGGAGCGGTTCAAGGTTTCAGGG  
CCTGGTGGAACCAGTTATTGGGTTAGTCATACTCATAGTCATGAAACAGGCCATGGTGGAGGAAGTGATGCA  
GATGAAGCTTGATGATGATGACGATGATGATGATGATATTATTATTCCAAGTGTATATACTACACATCCATCCA  
ATGTTTCATATTCTTCAGCTCATTGTTCTTCAACTGTCAATTCCTCATTTACAGCAAGCAAGCAGCTAAGTGTGCT  
GTTTTGTAACAACACTCAAACATTTCACTGTTTATTCTTCTTAACTTGATATTCAATATCACTTTGCAATAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5168 AJ011629|*Arabidopsis thaliana* (ecotype Columbia) mRNA for squamosa promoter  
binding protein-like 1

CAGCTGGTTTAACCCCTCTTCACATTGCTTCTGGTAAAGATGATTCCGAGGACGTTCTTGATGCATTAACCAAT  
GACCCGGGAATGGTGGGAATTGAGGCTTGGAAAGAGTGCTCGAGATAGCACAGGCTCAACGCCAGAGGATTA  
TGCCCGTTTACGTGGCCATTACTCTTATATTCGCCTTGTCAGAGGAAAATCAACAAGAGATCTGCAGCTGGTC  
ATGTAGTGCTGGATATTCCTAGTCTCTCTCAGATGGTAGCTGGAATCAAAAGCAGAACACTGATTTTACCTCC  
TCCAGGTTTGAGATTGGTAGGACGGAATAAACCTAGTCAGCAGCATTGCAAGCTTTGTGTTAGGAAACCGC  
TGGGTTGTGGAACATCATCTAGCGCGTCTTTGGTCTACAGGCCAGCAATGCTTCGATGGTGGCCATTGCTGC  
TGTTTGTGTTTGTGTGGCACTCCTATTTAAAGCTCGCCCGAGGTTCTCTATGTCTTCCGGCCCTTCCGATGGG  
AACTATTAGATTACGGTACTAGTTAGACCCATCTATTAATTATCTACCTGACTAAATTATAGGTAATGTATTGT  
ATGGAGTTATGAAGTTGAAATTCAGTAGAACTTGTAATGAGTTCAGATTGATATACTACTCTATTTACGTGTT  
ATCGAAATTCGCTATAAAAAAAA

>trans\_c\_5169 EU295480|Hevea brasiliensis ATP synthase subunit H protein mRNA, complete cds

TGGATTAATTTTCAAGATCTACTTTCTTCTCGTCTTCAAATTTTTTTGAGATGCTTTATGATTCCCACAATTCTTCAT  
CTTGTTTCTTGAGGTTTTGATCTTTCGATTGCACGGTCAAGGTCGAACAGAGGGGATTAACAATGGGATTCTT  
GGTCACATCCCTGATTTTCGCCGTGATTGGAGTCATCGCATGTTTTGTACCCTAATTTGCTGTAATAGAGGCG  
CTTCGACTAATTTGTTTCATCTTACTTTGATCATTACTGCAACAATATGCTGCTGGATGATGTGGGCAATTGTAT  
ATCTTGACAAATGAAGCCACTTATTGTTCCCATCTGAATGACTCGGAGTGAAGTATTTATTTTGGGAACCTC  
TACTACAAGTTGTCTTATGAATTTTAAATCATCGTGGGTTGCTGCTGATCAACCCTAAAGATATGTTCTATTTT  
CAGATTCCATGTATCTATGTTGCATTTCCAGGTTGAATCTGTGCAATTCATAATTTGAAGATGACCTTCAATCGG  
GCTTCTTGAGTGCTGTTTTTTAATTACTCTTCGTGAGAATTTTGGACGATGGACTGTTATTCATAGCTACTTATT  
ACAAATCTCCATTTGTGAATTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5170 AY108988|Zea mays PCO101387 mRNA sequence

ATTTCCGACCTTTTATTTTCTTTTACAATTTTGACGAAAATCTGGTCCATTCTCTTCGTTTTCTTCATAGATT  
TCTAATTAGGGCTCTGATCACATCCGTTTCTACATTCAATTTCAACATCGTCTAACCAGCAGTTTAGCCATGGTC  
TGCGAGAAGTGTAAGAAAGCTATCGAAGGTGATAGTGCCGGACAAGTGGAAGAAGGTGCAAGCAACAC  
ACAAGAAAGCGGTGGCCGTAAAATTAACGAAAACAAGCTCCTCTCCAAGAAGAAAAGGTGGACTCCTTATGG  
AAACACCAAGTGCATAATTTGTAAGCAGCAGGTACATCAGGATGGGAAGTATTGTACACATGTGCTTACAGC  
AAAGGGGTTTGTGCTATGTGTGGGAAGCAAGTACTTGACACCAAGTTTACAAACAGAGCAACGTGTAATTA  
GTAGCCAGAATTGATATTCAACTTGTAACCTTATCATCAGGGGTTAACGACATGTACTTCGATCCTGATGTAAT  
TTTCATCCCGGTATCCATCTATAGTAAATGACTAATAGTTCCTTCAATTTCTGATCCGACTTGAAGTGTAATTC  
AACCAGAATTAACATTTGTTTGTTAATGAGATTTATGTATTATAAAATTCTACTTTCCTTCTGCTAATGCA  
GTTATGACCTAATCTTTTAC

>trans\_c\_5171 Novel Gene

ATCGCCATTTTCTTCGTTCTTCTTTTCTTCAAAGCTTGAAGTATGATAGTGGAGCTTCTTCAGTATATG  
AAATCATCAATCACTTTGCTTCGAAAATTGCTTTGTTTTTCTCTGATTCAATTCGTTTCTTACCTTTGACAGT  
GTCCTTTGTTTGAATTTTGAAGTTTTTGAAGTTTGGGGTTTGGTTTTTTGAATTCATCTTAGTTCTCGTCTGG  
GTTTTTATCTGAAAACAGTTTTTTGGGGATTGGGATTTTGTGCAACGGTTTTAGAGACATTATGAGTTTGCTTT  
ACAGTACGAATTTCAAATTTCCAACGACGAAATGAAGAAATACCCTGATTTTATGGATTGTGATTTCGACGAA  
CAACCATCATTCTCAACAAAAACACAATAATTCTGGTGGTCTTATGCGTTATTGTTCTGCTCCGAACTCTCTGTT  
TGCGAGCCTCGTCGATGGAAGTGAAGGTTTTAATTCAGCAACAATGGCGGTGGGAGCCGTGAGGATTATCG  
GTTTATTCGATCTTCTAGCCCTGAGGTGGAAGTATTTTGTGAGGTTTATGGCGTCGTGTAATGGAAAATTCG

ATTCGGGATCTGGAGAGAGGACGGTGAAGGAAGAAACAGGGGAACCGGTTGACAACAAAATGGGTTCTGC  
AATCAATCATCGTCAATGG

>trans\_c\_5172 AM265611|Beta vulgaris mRNA for B12D-like protein (b12D gene)

AAATAGAAAAATTATAAAAAAAAAAATATATAATCCCGAAATTCTCATCTTCTTACCCCCACAAGCTCTCCGATT  
CAGCCGCGTTTCAGCCTCTTCGATCCGCTTCTCCGCGGTATTCATCAATGGCTCCTTCTCCACCCCTTAGTCTG  
ATGGCTGAGGCCTGAGGTTTACCCTCTTTTCGCGCGGTAGGAGTGGCTGTCGGAATCTGCGGATTCAGTTA  
ATCCGTAACATCTGCATCAATCCTGAAGTCAGAGTGAGCAAGGAGAATAGGGCTGCTGGAGTGTTGGATAAC  
TTTGCTGAGGGAGAGAAGTATTCTGAACATTTCTGAGGAAGTTGTACGCAACAAGTCCCCAGAAATTATGC  
CATCGATCAACAACCTTCTTCACTGACCCAAGTCGAACTAAGAAGGCTATGAATGAATTACACATTAGATTGG  
ATGTAGATTTGAATTTGAATTGTTGGTGGATTGGTGGCTGTAAAAGTTAAACTATGCTGCTTTTACGTTTGCT  
TTTATTGTTTCGTTTGAGAAAGTTTGAAAACGATGGATCGATAAAATAAACCATCTGAACCAAAATTTAATTC  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5173 AY380778|Lycopersicon esculentum Bax inhibitor (BI-1) mRNA, complete cds

CTCTGAACCAATCAAATGGATGCCTTTTCATCTTTCTTTGATTCTCAACCAGCTTCTACAAACCGTTGGACCT  
ATGATTCTCTCAAGAACTTCCGGCAGATTTCCCGGTCTGTTCAATCTCATCTCTACCAGGTTTACCTTACTCTGG  
GTTGTGCTTTGGTTGCATCTGCTGCCGAGCTTATCTGCATATTCTATGGAACATTGGCGGAATTCTCACTACA  
CTTGCTGGTATTGGATGCATCGCATGGCTAATGGCCACTCTCCTTATGAAGAGAGAAAGAGGGTTTCTATGT  
TAATGGCGGCTGCTCTTCTGAAGGAGCTTCAACTGGTCCTTTGATTGGGTTGGCTATAGATATTGACCCAGT  
GTTTTGGTCAGTGCCTTCGTGGGAAGTGCAGTGGCTTTTGGTTGTTTCTCTGCAGCAGCCATGTTTCGAAGACG  
CAGAGAATACCTTTACCTGGGTGGCTTGCTTTCTTCTGGGATATCCATGTTACTCTGGTTGCATTCGCTTCGTC  
AATATTCGGTGGTTCTACTGCTCTCTTCAAGTTTGAGTTGTACTTTGGGCTATTGCTGTTTGTGGGCTACATGGT  
AGTTGATACTCAAGAAATAATCGAGAGGGCTCATCTTGGTGATATGGACTATGTGAAGCATGCCCTGACTCTT  
TTCACAGATTTCTTTG

>trans\_c\_5174 DQ975458|Capsicum annuum ubiquitin extension protein mRNA, complete cds

GAAGCCTCTCAACCATGCAGATCTTCGTGAAAACCCTAACGGGTAAGACCATCACTCTCGAAGTTGAGAGCTC  
CGATACCATCGACAATGTCAAGGCAAAGATCCAGGACAAGGAAGGAATCCCCCGGACCAGCAGCGTTTGAT  
TTTCGCCGGAAGCAGCTCGAGGACGGCCGAAGTCTAGCCGACTACAACATTAGAAGGAATCGACCTCCA  
CCTTGCTGCTTCGTCTCAGAGGAGGCGCCAAGAAGCGTAAGAAGAAGACCTACACCAAGCCCAAGAAGATCAA  
GCACAAGCACAAGAAGGTGAAGCTCGCCGTCTCCAGTTCTACAAGGTCGATGACTCTGGAAAGGTGCAGAG  
GCTTAGGAAGGAGTGCCTAACGCCGAGTGCGGCGCTGGAACTTTTATGGCTAATCACTTTGACCGCCACTAC  
TGCGGTAAATGTGGTTTGACCTACGTTTACAACAAAGCTGGTGGTGATTAGGTTTAATCTGTTGTTTCTTTTTT  
CATCATGTTTACGTTTTATCTAAATGTTTGATGTCGTTGAATTTATCTAGAATTTCTTCCAGTTTGTGGAGTTT  
AGTTCTTGACATGGATTTTGTCTTAATGTCGATTTATTATCGTTTTTATTAAGATCCACAATACTTAGCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5175 NM\_129496|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L35 (RPL35B) (AT2G39390)  
mRNA, complete cds

GAAAACCCTAGTTTTCTCAGTAGCACCTCTCCACCACCTTCCATCTCTTCTAGGGTTTCGCCGACTCCAAGACC  
GCACGATTAGAAATGGCGAGGATCAAGGTTTCATGAGTTGAGGCAGAAATCGAAGGCGGATCTGTTGTTGCA  
GCTTAAGGATCTTAAGGCGGAGCTTTCTCTCTTCGTGTCGCCAAAGTTACCGGCGGTGCTCCGAACAAGCTA

>trans\_c\_5176 Novel Gene

>trans\_c\_5177 Novel Gene

>trans c 5178 M63627|P.sativum carbonic anhydrase mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTTTTGAAGAAA  
AAGGAACTTTTTAGAACCGGAGTTTCAATGAACTCCATCTCATATTTATTGTCAATTTATATACTAGAAAAGAC  
GATTACACAAATAAAGTACATCATATGAAGAAAATCAGTGAGAAAAACCAGATCGATCCGCCGGTAATAGTT  
GGAGTTCATACAGACAAAGGCTTAGTAACGTTGAATTCGAGTCCCCAGAGCTCGAAAGTTCGGTTAATGAAGT  
CGTAGTGACCACCCTTAAGTCCAAGAGTTCATTACCAAACCATCCCTAACAAATGGATAGGTTAGCAGATTC  
CCAAGTGATACAGCAACTGCTTCCTTTTACAGTGTGTACAAAGTTCCCAAGTTCCTGCACCACCATGGGCTGA  
ATTGACCTTGGCCTTAGCAGGCAAACCAACTTTCACCCATTCTTCAATGAAATCAGTTGAGTACTTTCCATCATA  
TGGGAAAGTCATAAGCCCTTAAACCACCACAAGCACTGTGACCAATCACAACAATGTATTGCACCTTGAGA  
TGAAGAACAGCATATTCAATGGCAGATCCAGTTCCTGAGTATTTGTCCTGATCATATGGAGGAACCAAATTGG  
GTTGTAAAGACTGCA

>trans\_c\_5179 AY572462|Gossypium barbadense ethylene response factor 2 mRNA, complete cds

TAGAGAGAAAAATGTGCGGTGGTGCCATTATCTCTGATTTTATAGAAAAAAGGCGAACTTGTAAGCTTAACAA  
TGAATCTCTTTGGTCCCACATCGACCCTTTCTCCGATCTCCTCGGCCTCAATTATCCTCTGTGAAAAGTCTGAGAA  
GCCTAAGAAAAGAGACCGATCTACGGCGGCGGAGGCGGTGGCGGTGGAGAAGACTCGAAAAGTTCGGAAG  
AATTTATACAGAGGAATCCGGCAACGGCCGTGGGGAAAATGGGCGGCGGAGATTCGGGACCCACGAAAGG  
GAGTTCGAGTTTGGCTGGGCACTTTCAACACCGCCGAGGAAGCCGCCAGAGCCTACGATGAAGCTGCCAAAC  
GGATCCGAGGAGTAAAGGCCAAGCTGAACTTTGCTCCGGCGCCGCCGTGCGCCACGGCTCAGCCTCAAATC  
CGGTGAAAAAGCAGTGCCTCCTCCCGAGTTGACTCCGGGTGGCTTCAACACAACCGATTGCGCTCCGTGTAC  
ACGTGCGGATAGTTCGTGTGACAGCGAGGAGCTGTACTACGGCGAGGAGTTGGCGAGTTAAGATCGTTCTT  
GGGGCTGGATGGTGAGGAGCAACAACCGAGTCAACTCGGTGGAAATGGGGAGTTTGAACGAGTTGATTTGG  
ATCTTTGGATGATGGACGACATGTCGTTGAATGAGG

>trans\_c\_5180 XM\_002870153|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At4g15930, mRNA

ATCCTCTCAGATTCTGAGAGAACTCACGAGCTTTCCTTACAATTTCCACTCAAATCGATGAACTAATTCCAAATT  
TCTCCGAACAACAACAACTACTCGAACAGATTGTTTCCTCATATACCGTCGGTTCCGAACCCGACCCGAGATC  
AGCAGAAAGAAAAAAGATGAGTAACGATGCTAAGAGAAGCATTCAAGGGAATCTAATGGTGAAATCTGT  
GTCGGAAGATCGGAAACACCGGCTGTGACGGCTACTGGGAAGAAAATTGTTATCAAGAGTGCTGATATGTT  
TGGTGATGTGCAGAAAGAGGCTATCGATGTCGCCATAGCTGCATTTGAAAAGCATAGTGTAGAGAAGGATAT  
AGCAGAGTGTATTAAGAAAGAGTTTGATAAGAGACATGGACCGACCTGGCACTGCATTGTTGGCCGTAATTTT  
GGTTCGTACGTGACACACGAGACAAACCACTTTGTTTACTTCTACTTGGATCAGAAAGCAGTTTGTGTTTAA  
ATCTGGTTGATAACATGTATATTATGCAGATTAATGAATCTTATTAAGTATTTATGATCATCGCAGTTTAAT  
CAAATGATGATATCCTTTGTGGACAAAAACAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAA  
AAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAA

>trans\_c\_5181 FJ899660|Jatropha curcas membrane protein mRNA, complete cds

AGCCACGAAACAAAAATCCTGTTTGTTCATTGATAAATCTCAAGAATTCTTGGAATCTGAAGAATTCGTCTC  
CATTTTTCTGATCCAAATCTCATTTGCGCCTCCCGGATCATCCTCTCAAAAATGACGACATCGCGGCGTCTTGCG  
GATCGGAAGGTGGAGAGGTTTGAGAAGAACATTTTGAAGAGAGGGGCTGTGCCTGAGACTGCTACTAAGAA  
GGGAAAAGATTACCCTGTTGGCCCTATTCTTCTTGATTCTTCGTTTTTGTGTCATTGGATCATCTCTGTTTCA  
GATAATCAGGACGGCAACAGGTGGAGGAATGGGATGAGAGCCATCTTCAATTCTGATGAGAGGGGTAGCAG  
GCAGAACATGAGGTTAAACTTATTGAGTTAATTTGTTTGTACTATCTGTTCTCTGCCTATTTGTCCTATCCTCT  
AGGAGAAGTTTAGAAAGTAAAGAGTAAGTAAGACCATTTATGGTCATCCTGTGAATTACTCTTATTAAAAAA  
AAAAAGTAATTTAAATAACAGTGCACATGCCTAAGTGCTATGCTATATGCTATATCCTATATCTAATCGTTTTGT  
TCATTGTTTCATGTCATGATCTCTCAACTCTTAGGTGCACTTCCTTTAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAA  
AAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAAAGCAAAAAA

>trans\_c\_5182 Novel Gene

ATCCTCATCCCTCATCGACCTTCAAATTAACCAACCAACCCAGTGGCTATGGATGTTGTCACTCAAAGAACTC  
CTCTTCTCCGTTTCCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTTGTTCGTTCCCATGGCGTATAGGACGGTCGAGGATTT  
CTCCGACCAGTGGTGGGAGCTCATCCAGTCTCCCTGTTCCGTGAGTACTGGCTTCAAGAACGCTTTCAA  
GATCCTCAAAATGAACCTCCGTTTGGTGAAAATGAAGAATTCGTCCTTCCGGATCTTGAAAGTTTCTTCGATGA  
CTTCACTCGTCAACAGGAAGAGGAAGAATTGGAATCTCGAAAGACTTAGTTCCAATGGGAGCTTTCAAATGG  
CAGAAGGCTCGGTCTGGAGCGGAGGTTCTAAGTATGCTCAAAAGGCTCCCAAGATCGTGAACGTGAAAGTG

AGTCCGAGAACGATTACCAACCGAGATAGATTTTACGCGCCCAATCGAGTACGTTTCTTCATCAGAACTCAA  
GAACCAGTTTGAATTGTTGTTGATCTAGGGTTTTCCATTTCCTTCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTAAAGAACAGAGTCTAAACTTGATCTGTTACATATTAAGTCTGAAGAAACCGTGCTTAGTTCCTGTAATTT  
TAAACCAAGTCTTACTT

>trans\_c\_5183 AJ006943|Spinacia oleracea mRNA for phosphoribosyl pyrophosphate synthase,  
isozyme 4

ACTAACACTCTCTTTTGTTCCTCTCTCTCTCTCTTCTGCTTTGAGTGAAAGCAGCTTTGTGGTGGAAGTTGA  
AGTTGTGGGAATCAATGGCAAAGCCGCCGAAGAAGCACATCTTTCTCTTTACTGCGAGGAATGCGAAGAAGT  
TGCTCAAAAAGTTGCAGCTCAATCCGATTCCATCACCTTACAAACCATCAAATGGAGGACATTTGATGATGGTT  
TTCCAAATATATACATTAACAATGCTCAAGAACTGCGCGGGAATCATGTAGCATTCTTGCATCGTTCAGCCAC  
CAAGGAGCTATCTTTGAACAGATTTTCAGTCATATACAATCTCCCAAGGCTTTTTGCTGCTTCATTACGTTGGTA  
TTGCCTTTCTTTCCTACTGGCTCCTTTGAGCGAATGGAAGAAGAAGGGGATGTAGCAACAGCATTTACGATGG  
CAAGGATCCTATCAAATATTCTATTTCAAGAGGTGGCCCAACAAGCGTAGTAATCTATGATATACATGCCTTG  
CAGGAAAGATTTTACTTTGGGGATAATGTTTTGCCTTTGTTTGAACTGGAATTCCACTCCTGAAGCAACGCCT  
ACACCAACTTCCTGATGCTGACGATGTAGTAATAGCATTTCTGATGATGGAGCTTGGAAGCGATTTACAAG  
CTACTTGATCGTTATCCT

>trans\_c\_5184 AL161535|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 35

GAGATTCGCTCTGCCGAATGATCTGTAATTTCCGCCATGAACCATGTGAGAGATCAACAACAAGAAATTCCTC  
AATTACATTTTGGAAATTTGGAAGTGGTCACGGCTCTCGGCCGTGGAGCCAAAGGAGTCGTCTTCTTGGCTCG  
AAATCCCGCGGAGGACGACGCCGAATGGTTGGCCTTGAAGGTGATTCGAGAGAGTTAATCGAGAGGAAGG  
CCAAGATTGTCAATAACGATGGAGCTGAGTATCGGAGAGTTTGCTTTGAACGAGAAGTTTTCGGGCTTTTCCG  
GCATCCGCTTTTGCCTCGATTGCGAGGAGTTTTGGATACTCAGAAAGTTGTAGGCTACGCCATTGATTATTGTA  
ATGGACGAGATCTTAATGCTCTTAGGAAGAAACAGACGGAAAAAATGTTCTCCGACGACGTTATTAGATTTTA  
CGCCGCGGAACTAGTCATGGCGTTGGAGTATGTACACAGTTTAGGAATAGTTTATAGAGATTTGAAGCCGGA  
GAATGTCATGGTTCAACATAACGGCCATATAATGCTTGTGGATTTTGATCTCTCTACAAGACTCTCTCAAAAAT  
CTCCAAGTCGTCTCCGTCGCCGCGTCGGAGGTTTTGGCGGAATCTAAATTTGTGAAAGAAGATAAGAACA  
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5185 GU005024|Arabidopsis thaliana ecotype Ws-0 CDKB2-1 5' flanking region genomic  
sequence

ACTACGCGTGGTGTACGATTCAACCTCCCCACTTCACCGCAGCCATTCTCGAAGAAATTCGACAAACTTCCG  
ACGTCTACGGCCATTATCGCTATGTTCTTCTTCCACTCTACTTGCCATTAAGTTTCTGTTTAGGGATTTCATCTAAT  
TTCAGGATACGCTTGAATGGAAGCTAAAGTCTTGGTTGATCTTCAGATTATTGGTACAGTTTTGGAGGATCAA  
GATTACTTGGAGAAGATAACCAAGTTACAGGGTTACCTCGATGAGGTGAAGAAGATTGTGAGTGAAAGCTGT  
TCCCAAGAGGTTTTAGAAGTGGCGTTAACTCCATCTCATCCCTAATTACCATCCTCTCCTCCATGTCATCGTCT  
ACCAAACTCCATTCTTCACTTTGATGGTATAAGAAAGTGAATTAGATTTGGGATTGAGCTTCAAAACATGTATG  
ATGATGTGAATATTACTCGTGTAATAATATAACATGTTGTATTCTTGCTTGTTTCTTTGCTCATCTTCGTTT  
TGTTAAGAGCAAAGAAAAGCTTACGAGCATGAACATGTGCAAATTTATGAAGGTCAATGGGCTTCGTAATTTT  
TTTTCCCCATTGATTTAACAATTTATGGAAGATGGATATAGTAAATTTAGGTTAAGCTGTACAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5186 FJ665980|Juglans nigra EF-hand motif containing protein mRNA, partial cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTCAGGTAAACAGTTGAGATATTCATAGAACTATCATTGAATA  
CTTAAGATACCCAATTTATACAAAGAACATAACTTATAACATTGATAAGGATGAGGCTACATTAATAGATTCTA  
ACATAAAGGAAATCAAAAGAAAAGGCCAAAGAAAACCTCAAGCTTTTACTGAACAAACGTGCTCGAACCAAG  
GCTTACTCCTCAGGCAATGAGAAATGGTAAGACAGTCAACATGAAAGCCTCATAACTGAAGGTTGCAGAACC  
AGAGTATGTAGTGTCTTTTCTCGAATTTTTCGGTCAATCCCTGTCTGTAAGACAACACTCGATAAAATTATC  
GTATTCAATGGCCTTGCTTTTCCCACCACTTTTGTCAAACCTAGACACCAGCAAGTCCAAGACCATTGGTGAGA  
CTGCAAAGCCCAAACCTCAAAGTGCATCTCGCAACTCATTGGAATCAATTTTCCACTTCTGTCTGAATCAAAC  
CTCTCGAAAATACCCCTCCAGCTCTGAAGTCCATAAAACAGAGAAATGAACTCCTTAGGTCCGATCTTCCTGGT  
ATTCGTGTTGGTGAAATGGTACATGAGAAGATGAACAGTTCTGATGCTAACTTCTGATTATACGATGACAGA  
ACACCTTGCAACTCCTTA

>trans\_c\_5187 Novel Gene

ATACCCTAGGTCGTCAGATTCATCGGAACAGGTAATGGCTCCAAAACAGCCGAATACTGGCCTTTTTGTTGGT  
CTTAACAAGGGCCACATTGTACCAAGAAGGAGTTGGCCCCAAGGCCCTCTGATCGTAAAGGAAAATCAAGT  
AAAAGAGTCCTCTTTGTCCGGAGTTTGATCCGGGAAGTTGCTGGTTTTGCCCATATGAGAAGAGAATCACTG  
AGCTTCTAAAAGTTGGAAAGGACAAGCGTGCTCTGAAGGTAGCCAAAAGAAAGCTTGAACCCACAAGCGA  
GCGAAGAAGAAGCGTGAGGAAATGTCCAGTGTTCTAAGAAAGATGAGGGCTGGTGGAGGTGCTGAGAAGA  
AAAAGTGAGATCCACACTTGCTCATTCAACGTCTTGCACTGTGGCTGCTATTTTTGTTTGTAGGTTT  
CAATTTGTTGGAGACCGAGACCGATCTCAAGCTGATAATCAATTTAGTTTTGTTATCTTTGAACTTGTTTTACT  
AACACCCAATTTGTTATAGCCCCGTTTGTTCATGATGCATTGTGGTTTGATGAATTAATTAGCCAGTCATGT  
CATTTTTTGCGTTTGTGGTTTATGTCTCCCCGTGATTTATCAATTTATTCTATATTGGGTTCTAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5188 Novel Gene

CTCTACCGTTTCAATCCCTAAATTCTCCCTCTCTAACGCTAATAATTCCTCTTCTCCCAATTCTCTCGATCTCTCT  
TCTCCGCTGTATTCACCGTCGATAATTCCAACCTTCGGTCTTTCAATTTGACAACGGCACCGTTGGTCTTGTGT  
ATGGTGGAATGATTTTCGGGGAAGGAGTACTGGCGGTGGGAGAGCCGAGGCTAAGGGGAGTAAGAGGAT  
GAATGTTACTGTGGAAGGTTTCGGCGAAGAATGTCAGTGGTAGTAATGGGATTTTGAGTTTGAGTAGCTTTGT  
GAAATTGAGAGGGAGAGTTCTTTGATTCATGTGTTTAGACGGAGAGTTTCGTCGGAAATTAGTTGTTTCGATG  
AATTTGGATTTGAATACTCATCAAATTCAACATAATTGGGTTTGTGAGTAGTGATCATCTGAATCGAAATCCAT  
CAACCCCATAGACGAACCCTAATTAGTTCAATTTTTTTATTTTTATTTTTGAAATTAGTTTATTATTTACCTTTT  
CGTTTTCTTTTACAATTTTGTGAGTTTCTTTCTTTTCTGAATACGACGATGTAAACATACATATACATATACA  
TATACATATCTTGCCTAATTCTTCTCAATATATAATCATTCACTCTTCTTTCTTAGCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5189 AY651886|Glycine max elongation factor 1A SMV resistance-related protein mRNA,  
partial cds

AAGGATGATCCTGCCAAGGAAGCTGCAAATTTCACTTCCCAAGTTATCATCATGAACCATCCAGGACAGATTG  
AAAATGGTTATGCCCTGTTCTGGACTGCCACACCTCTCACATTGCAGTCAAATTTGCTGAGATCTTAACCAAG  
ATTGACAGGCGATCTGGTAAAGAACTCGAGAAAGAGCCCAAGTTTCTGAAAAATGGAGATGCTGGATTTGTT  
AAGATGATCCCCACCAAGCCCATGGTGGTGGAAACATTCTCTGAATATCCCCACTTGGACGATTTGCCGTGA  
GGGACATGCGTCAAACCGTGGCTGTTGGTGTCAAGGCCGTTGAGAAGAAGGACGCATCCGGCGCCAAG  
GTCACCAAGTCTGCAGCAAAGAAATCAGGGAAGTGAATGGTACGAGTAGCCGTTGGCAGTGGTGAAGTTTGT  
CAGAATGATGAGTGGATTCTTATTAAGTTATTGTCTGGTTGGGGTTTGTGTTTGTCTTTGTTTCGTTGGGTACGT

CTTTAAGTTTCCTCCTTCGTCGTTGAGCAGATTCTCTCAGAGCCAGGTGCTTGATCGGCGGTGGCAAGTCCTTC  
CTATTTAAGGTTATATGTTCTATGCGTGTTTTACTTTAACTACCTTTTTCTGGTATTGATCTTTGTTTCTGTTTCT  
TACATACTGATCGTTTTTGTGACT

>trans\_c\_5190 AF234652|Mesembryanthemum crystallinum protein kinase MK5 mRNA, complete  
cds

GAATTGACTCATCTCGTGCAAGGGTTGCTTCGATATGATCCCGCACATAGACTAACGGCCCGTGAAGCTTTAC  
GGCACCCATTCTTTACAAGGGATCCCTTGAGGAGATAGTAGGATATGTTGACTCTCATTATTAAGTACTGGCA  
TTCAAGTTTTTTACACTGTTCTACCTTCTTCATGCAATTGTATAGCTGCTGGCAATGTGGGCGAGCCTGTTGAGT  
GACGATGCGGGCTCGAAACAACGGAGTATCTCTGTGATGTTGTAAATATATATCCTTACTTGAAGCAGAGTTT  
ATGCAATGGTAGCACAAAGTTGCTTATAATTGCACGTGATTCTAATGTGTGAGTTGATTGATTGTTTCAGTAAGA  
TAGTAGTACACTAACTTAAATTTTTTTACAACATTTGGCTGTACGGTGAATGTTGAGATACGATGGTTGACAGA  
CGTATAATATGACACTATTGCCGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCGCCCCCAAACTTTAAAAAACCTTCACCCCCC  
GGGGGGGGGGGGGGGGGGGCCCTTCCCC

>trans\_c\_5191 XM\_002867599|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA-binding protein cp31, mRNA

TGCTCCAAGAGGTACAAGGCAAGAACGCCAACCTCGACCATTCCAACCTGCTTTCAGAATCTATGTGGGCAAT  
CTTCCATGGGATGTAGACAATGCACGCTTGGAGCAGGTCTTTAGTGAACATGGTAAAGTAGTAGATGCTCGG  
GTTCTTTACGACCGGGACAGTGGCCGTTCTCGTGGCTTTGGCTTTGTGACCATGGCTGATGAACTGGAATGA  
ATGATGCCATTGCTGCTCTGGATGGACAGAGTCTAGAAGGAAGGGCAATCAGAGTAAATGTTGCTGAGGAAA  
GACCAAGGCGCAACTTCTGAGCCGAACCATGATGAATCCAAAAGGCCTTTTCTCTTTTCTTGTTCTATGTTCTT  
TTTATTCCTTTTTTTGTTTTCCAGAAAGTATAGGTGAGTTTTGTAGTGCCATTGTTTAGCCACCTTATTACAGTGT  
AATTTGATGTCTTTATGCTTCTAAAATTTCAAGTCCTCTATTATTTTGGATAATGTACGAGTTACAAGTTTCGT  
GCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCCAAAA  
AGTTTATCATACCCTTCCACCCAG

>trans\_c\_5192 Novel Gene

CAGGGCTAGGGTTTGAGATTTTGTCAAATTATTCAGAGATGGCAATGAAGCAATTCTTCTCCGAAATCAAGG  
GCTTGAAAGTTAAGGAGCTGCCTGCCTATGTGAAACCGATGCTCTCCATTGATGCTGCCAAGAAGGTTGTGCA  
GAGAAGTCTCGACAATTACCATGCCAAGTACATTCAAAGTACTGTTCAATTGATCCTCTCTTTCATGTCTGCTTGG  
TGGTATGATCTTTTCGTACCTCGTTGCGCTTCTGAGGAACGACGCCACCTTGAACATCAGCAACACGCCAAAG  
AACATGGTGGCCATTGATTGAGTTCTTTATTTTTGAGGGTGAAGGTGCCTCAAAGGTGTTTCTGGTCAATAAT  
TTGTTTCCCGAATGTTTTGTATCTTAGTCTTACTGGCAGAACTTGCAATTCTTTCTTTTATACATGGTGCCAG  
AGGAAATAAACGTACTTTTCGGTGATGTCTAATCATATCATTATGGCAACCATTGTTGAGTCGCAGCACACGT  
TCATGGCTGGTTATTTACTTTATTGCACATTATCCTTCTCCATACTTGTTTCTCTAGATAGTTCTTTCCCAATGG  
CCTATAATACTATTGCTGCAGACTTCAAATGCAAATTGATTGTCTTTCATAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5193 EF690284|Citrus sinensis cysteine protease Cp mRNA, complete cds

GCGGCCTATGCACAAGCACATGGAAAGGGTGTCTCCCTGTCCGAGCAGCAGCTTGTGGATTGTGCAGGTGCT  
TTTAAACAACCTTTGGCTGCAATGGTGGACTGCCTTCCCAAGCTTTTGAGTACATTAAGTACAATGGTGGCCTTGA



CACTGAAGCAGCATATCCTTACACTGGAAAAGACGGCAAATGCAAATTCGTCTCTGAGAATGTTGGAGTACAA  
GTTATTGATTCTGTGAACATCACTCTTGGCGCTGAAGATGAATTGAAACATGCAGTTGCTTTTGTTCGACCTGT  
AAGCGTAGCATTGAGGTGGTTAGCGGTTTTGCTTGTATTCAAAAGGAGTTTACACCAGTAACTCATGCGGC  
AGTACCCCTATGGATGTAAACCACGCTGTGCTTGCAGTTGGTTATGGTGTCTGAAGATGGTATCCCATACTGGC  
TTATAAAGAATTCATGGGGAGGAACTGGGGTGACGATGGCTACTTCAAGATGGAGATGGGCAAGAACATG  
TGTGGTGTGCAACTTGTGCTTCATACCCCATTTGTTGCTTAGAGTACGAGAATGGCAAAGCTTCTTTAAGGTAC  
GGTTATGGTGGATAGAATGATGTGCAAATTAAGATACATATTGTTGGCGGGACAATCCTTTGCAGACGACTT  
AAATACGCGACAGGGTATTTGTGGAC

>trans\_c\_5194 L31374|Sinapis alba RNA-binding protein homologue (grp1a) mRNA, complete cds

AACCAAGCAGTTCCTTCCGACCATCTTTTGAGAGTCCTAACACAAAAAGCTTCACTTTTATTACATCAATGGC  
ATACCAACAATGCACCAAGCCAGCTGATCATGCGCATGGCCAGCACCAGCAGAAGCACGACCAACAACATGA  
TCACCATTTGCTTCGGCGGCCATGTCTCCGACAAGATCAAGGGCGTCTTCGTCAAAGGCCACCATCACGACCAG  
GCTCATCCGGCATCGGGCGCAGTGCACCACTCTGCCAACGACAGCCACTGCAAGGGAAGTGGGTCAAAGAAG  
AAGAAGGAACACCAAGTGAAAAAGGAAGGAGGTTTTGTTGCATAAGATCAAGGAAGCCTTTTCTGACCATAGC  
AGTGATAGTAGTGACAGTGAAAAATGAATGTCACAAACCACATCACAATAAAAAAGAAATGAAGGGAGAGAAG  
GAAGGTGAATCGATTGAAGGAACAGTGC GGCTGCCTCTAACTAGCTGCTACTACTATGAATTTGCGTAA  
AGCAGAAATAAAGATACACAATGTTGGATAAAGATAATAATTTATGAGACTACTGTACCTATTTCTTTCTTGT  
TAAAATAAACTTCTGTATTCTACCTCTTATCGATATAAAAAGTACATGCTATCCGACACACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5195 NM\_001066213|Oryza sativa Japonica Group Os07g0490800 (Os07g0490800)  
mRNA, partial cds

TGTTTCTTTTAGTGGAATAATGAATTTAGAACGAAATTACACCATCCATGGTTAAACATTGAAATAAAACCC  
GCTGACTCTTTACTCGAATACTGGGATATATTTGTCGATGTGTCTTACTTACATTGTGGCAGAAGTTACAACT  
GTAAGCAGGCCAACATTGACATCCGAGAGCATGAGGAGATCTACTCTGAACCTGGTGGAGTAATGGACTATG  
AAGAAGATCGTAGTCGACCAAAGAGGAGACGACATCCAATTTCTTAGAGATATGCATGTGGGAGTTGAAGAA  
CAAAACCAACCTCCAATCAGACGGGTGTGGAACAACCTGCCTATTTTTGTTGGTGGCAAGAAAAAGAAAAGG  
AAGTAAAAGAATTAACAGATGTTGATTTTTGGATTTGGAGAAAGATGATCTGTCTGAGCCCTTCTTTAGAA  
CCATGAACATGTTGCTTTAGGTTCTGTCTCATAACAATAGCTTGTCTTTAAATTCAATTTAATTTTTATTGAGTT  
TATTAGAGAACCAACAATCATAGAAACGCTGCCCATTTTTCATACACTTCATGTTATCTTCGTGTATGCATTGG  
TAGGGTTGGAAATCTATTCTATGTTCTGGTTTTTCATAGGGATCATTTGGTAACATTACTGATTCTTGTTCAG  
TTTAGTGTTTAATAATCCT

>trans\_c\_5196 GU981740|Citrus sinensis ethylene-insensitive 3-like 1 protein (EIL1) mRNA,  
complete cds

CTCCAAGTCGACGATAATTTGTATTGTCAAGCCACAATGGTGGGAAATACTATGCCAATTCAGCAGCACCTG  
ATTTTCTTCCAACAAACATCCATTGACGAATACAAGGCAGCGTTCGATTCTCCATTTGGCATGTATCCCAACG  
ATAACATCTCCGACTTCAGATTCGGTTCTCCATTTAACTTGGCATCAATCGATTATGCAGCAGCAGACACACAA  
TTGCCCAAACAAGATACACCCTTGTGGTACCTTTGACCCAAAAATACAACCTTTTCGGCATTGATTGCTAGCTC  
CATCCGATGATCTGAAGTAAATATATTTTCAGAGGGAGGGGGAGGAAGAATCTTCATGCCCTAAAGAAGG  
TGAAACTTCTTCTAAATATCTAAATGCCTAGTTGTATACTATATATAAATACACATAAATATATACATATAA  
TGATAATGTGTGTGTTGCGTAATTAGGATGGTTCTGCAGCTACATACATTAAGATGTTTTTACATAATGTAGGA  
TATATAATGGGCTACTGAGTGTAGTAGTGAAGTAAAGTAAAAACAAAGTGAGTCTCACTAATTGAGGATTCTT



TACTCACCATGAAAAAATCAGGAATGAAGAACAAAACAAGGGTTGTGAATGAGTGCTTAAATCCCATATGGA  
ATCAAACTTTTGACTTTGTTGTTGAAGATGGATTGCATGATATGCTTATTGTTGAAGTTTGGGATCATGACACT  
TTTGAAAGGATTATATGGGAAGATGCATTTTGACACTTACAAGAGTAATATTAGAAGGGGAATACAAGGAA  
TCGTTTGAACTCGATGGAGCCAAGTCGGGGAGGTTAAATTTACACCTCAAGTGGATGCCCCAACCAATCTACC  
GCGATACCTAACAATTTTCAGAACTGTAAACCAGTAAGTTGAGGGTTGTACAACACCTACTTTTCTAAGCAGAC  
GAGATGAATAATGAAGTCTCACATCTTTTATCTGTGAGAGAAACGACCTGAAGATTGTATATATAATTGTTCCA  
TATCACTTTGGAACATATGCACAGACCACTCAAATATGAAGAGAGGGATTTTACGAGCAGAGCAAATGAAGGA  
AATGCCATTTACTTTCAATTCCTTAAAAGTGTGATTTTTTTTTTTGGGAGAATATGAAAGAAAGCCTGTTTGGCT  
GCAAATTCTGAAACGTTTATATATGTACTTATTATATTTGTCTTAGTCAAATATCTCATTCTCGAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5201 DQ785847|Cucumis melo subsp. agrestis maturase K (matK) gene, partial cds;  
chloroplast

AGGATTTTCGATCCTATTCTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATTCCTATACAATTCCTATGTATGTGAATACGA  
ATCCATTTTCCTTTTCTACGTAACCAATCTTCTCATATACGATTAACCTTCTATAGGGGCTTTTTTGAGCGAATA  
TATTTCTATGGAAAAATCGAACATCTTGCAAAAGTGTTGCTAATTATTTTCGGCTATCTTACGGATCTTCAAG  
GATCCTTTGATACATTATGTTAGATATCAAGCAAAATCTATTCTGGTTTCAAAGATACGCCACTTCTGATTAAT  
AAGTGGAATATTACTTTGTCAATTTATGGCAATGTCATTTTTATGTGTGGTCACAACCAGAAAGGATCTATAT  
AAACCAATTATCCAAGCGTTCTCTTGACTTTTTGGGCTATATTTCAAGTGTTGATTAAATACTTCAGTGGTATG  
GACTCAGATGTTAGAAAATTCATTTCTAATAGATAATGCTACCAAGAACTCGATACACTAGTTTCTATTATTA  
CTCTGCTTGGATCATTGGCTAAAGCGAAATTTTGTAAAGTCTTAGGACATCCATTAGTAAGCCGAACTGGATC  
GATTCGTCGGATTTTGATATTATTGATCGATTTTTCGTATATCCAGAAATCTTCTCATTATTACGAGAAGCTT  
CTGAACGCC

>trans\_c\_5202 FJ594492|Gossypium hirsutum truncated cellulose synthase mRNA, complete cds

TGGTTCAATCGCGATAAGTTATACTCTGATTACCAAACAACTTCAATTCTTTTTGTTCTTCGTTGTTTCATTGTC  
GAAAATGTCTTGCTGTGGTGGAACTGTGGATGCGGCTCTGCCTGCAAGTGCGGAAATGGCTGTGGAGGATG  
CAAGAGTTTCCCTGACTTGAGCTTCTCAGAGACCACTGCTACGATCGAGACTTTCGTAGTCGGTTTCGCACCTC  
AGAAGATGTCCTACGAGGTAGCAGAGATGGGAGCCGAGAACGGCTGCAAGTGCGGTGACAACTGCACCTGC  
GATCCATGCACCTGTAAATAAATGAGCAGCAGCAGCAGCAAAAACAGCTCGAATCTTCTTAAGTGGAGATTGT  
GTTGAGTACTAATAGTATGCATCCTTCTTAATAACAATTATAAAACCTCCAAGCGTTTTGTTCTCTGTTGTGT  
TGCGTCTTTTTAAGTGTGATTGTAGCGTTCCGTTGAATAATAGCAGTCATGGAGTTGTGGAAAACTTTATAT  
GCTGTTATAAGGTTGAGTCGGTGATTTTTAGCTCTTAATCCCGTGTTTCATCCATGTCTGTTTAGTATTTGCTT  
CGCTCTCTGTAAGAAATTTAAGAAATAGTATTTGCTAATTTGTGAGAAGTTACAGAGTTTCTTTCATCATCAATA  
GCTAAGTCTACGGGCA

>trans\_c\_5203 AJ251052|Avena fatua mRNA for VIP3 protein (vip3 gene)

ACTACGAGGGATTTGATTGTTGGAACATGCAGCAGGGCGGAGGATCTGAGTCGGAGGTACGTGGGAGGAC  
CAACAAAACATTAACAAATTTAGTCGGTTGAACAATCGGTTCCACGAGCTTGAAGATGAGATTAGAAGTCCCA  
AGGAAACAAATGATAATCTAGAGGATGCAAGTAATGAGTTGATTCTCAGTGATGACGATGTGATTCGTTTCCA  
AATTGGGGAAGTTTTTGGCCATATACCGAAGGAAGAAGTTGAAGGCAGGTTGGAACAAATGAAAGAGGAAA  
ATGTTGAGCACTTGAAGAACTTGAGGAAGAAAAGGATTCTATAGTGGCCAGATGGCTGAGTTGAAGAAAA  
TTCTGTACGGGAAGTTCAAAGATTCCATTAATCTAGAAGACGATTGATTAATACAGATGAGATTTTTCTGAAGC  
TGTTTTGATTCTATGTTCTTAGGATCTTGATGTTGTATTCTCTCATGTGGTCCATGTAGTCTTGGAATGCTCTG

GAATTTGAGTTGAGAAAGTGACTTGATAGTTTATTCAAGATCAATAGATGTTTATGGTACTGTTTTGTCTCTA  
ATATACATGAATATCTAGTGTTCTTGACTAGTCTTGTTTAAATTGATGGATTCACTAATTTGGTTGCGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5204 NM\_120270|Arabidopsis thaliana STN8; kinase/ protein kinase (STN8) mRNA,  
complete cds

TCAGATAAAGATCATAGATTTCTGGGGCAGCCACCGACCTCCGAATTGGGAAGAACTATGTACCGAATCGTGCT  
TTGCTGGATCCTGATTATTGTCCCCCTGAACTTTACGTGATGCCTGAAGAAACACCTAGCCCTCCTCCAGCTCCC  
ATTGCAACACTCCTTTCTCTATACTCTGACAGCTGAACAACCTGATTTGTTGACATGTATTCTGCTGGCATC  
GTGCTTATGCAAATGGCAGTACCAAACCTTGAGGAGTAGTGCTGGGTTGAAGAATTTCAATATGGAAATTAAG  
AACTACGGATATGATTTGAATAAATGGAGGGAGAAAACAAGAACAAAGCCCCGATTTAACAATACTCGATCTC  
GACTCAGGGAGAGGGTGGGATCTCGTAACGAAGCTTGTTACAGAGAGAAGGGGGCGTTTATCGGCTTCTGCT  
GCACTGAGGCACCCTATTCTTGTTGGGGAGTGATCAGGCAGCTGCAGTTATTTCTAACTAACTTAGTCAA  
GAAATGAGGTTGGAGGAGGAATGTAAGTAGAAATTTATAATGCATTTATCATCACCATATGGGTTATTTTAT  
TAAATTTTCATGGGACAATGATGGTCCCTTTGGAAGATAAACTTTAAGGGAATGTATTTAATGTAAAAATTTGA  
CTTCGATATAAAAAAATATCA

>trans\_c\_5205 NM\_180307|Arabidopsis thaliana zinc finger (DHHC type) family protein  
(AT3G26935) mRNA, complete cds

ATGGAGAGCGATGATCAAGACTCCTGCCTCCATTGTGCTAATTGTTTACACTTTCATCTCCATGTGGTTCGTTG  
GTGGCCTTACTGCCTTCCATTTATATCTCATCAGTACAAATCAGACTACCTACGAGAATTTTAGATATCGTTATG  
ATCGAAGGGCCAACCCATACAACAAAGGAGTAATGGACAACCTCAAGGAAATCTTTTGCTCCAGCATTCCTGC  
ATCCAAAAACAACCTTCAGAGCGACCGTGCCTAAAGAGCCTGTTCTACCTCCTACTCGACTCGGAACGGGTGGT  
TTTATGAGTCCAAATGTAGGCAAAGGAGTAGAGGACATTGAAATGGGAAGGAAAACAGTATGGGGAGACAT  
CAATTCTGGAGCAGATCCTTTTGATGGACAACAACCTCAGATCAGTGAGCGGTTGAACATAAAAGAAGGTGA  
ACTTGGTGAAGTATCTCCAGATATTAGAGCTGCCGTTGAAGAAGGTAACGAACGTGGTGGATTACATCCGAG  
GCTATCCAGCTGGGGAAGAAAAAGTGGGAAGCTGGGACATGTACCTGAAGTTGTTGCTTTGGCAGCAAGGG  
GTGGCGAAAATCGTGTTGGAGGGAGCAGCAGCAGCGGCAACTTGACGGTTGACAACCGAGAAACACGTGAT  
CATTGATAAACTTGGAACAGATTTAGATG

>trans\_c\_5206 XM\_002891468|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1273, mRNA

TCTGACCAAACCTCCATTTGCCAAATGAGGAATGAATATGCGACCCCAATATGGAAAGTATGGTCCGGGCAGT  
TTAATGAGGGTGAAGAATATTGCAATTGTGATCAAATGCCAAGGTACTTCTAGATCCTTAAGAATTGGAGATA  
GACTTAAAGCTGTCTGTCTCATGACCTCAGCAACGGAGAAGCCAATTATAAATGGAAATGGGACAATAAGAA  
GCTTCTTTTCATGAGCACAGTAAGACATCTCGCTAAGGGAGGTTACGAGGAGTAATGGTACAGACAAGTACTT  
GATAACCGTCAAGATGAGGTGAGCAATAAGCTGGATGAAGTTATCCAATGCCTCGTTCCAAGGGAAAGACTT  
CACTGGCTCTGGTGAAGTATCCCAAAGCTGTTTTACCTTGTCTTCAAACCTATCCCAATTTACCCTTCTGAATC  
ATCTGACTGTCCTGCAGTCATATTCATAGCACAAAGAGACCACTGATCTAGCATTCTGAAATCTTTTATGTGGTTT  
TAACTCACTATGTGGCTGCATTCTGGAGACCGACAACCTGGGAGCTAGAAGAAACGGGGCGTGAAGGGCCAT  
TTAATGGAAGTTTGAAAGTGAGTGGGCGGAGAAAGCAGGTGGGTCGCCATAGTTGGACCTCAATTGAAGCT  
TTCGATGAAGGATACACAAATTTT

>trans\_c\_5207 BT004743|Arabidopsis thaliana At3g49100 gene, complete cds

GAAACTCCTTATTTGTGCTCCTCTCGCATCGCGCTCGAAACCAAGCTTTCTCAAGCTCGCTAAAATCCCCAAGCT  
CTCCCTCTCTCCGCTTCTGCCCCGAGCCATGGTTTACATAGCTTCATGGGATGAATTCGTCGAGCGTTCTGTC  
CAATTGTTCCGTTCCGATCCACCTCCACGAGGTATAACATAAAGTATCGACACTGCGATGGGAAACTGGTTCT  
TAAAGTCACCGATAACCGTGAGTGTCTTAAGTTCAAGACTGACCAGGCACAGGATGCTAAGAAGATGGAAAA  
GCTCAACAACATATTCTTCACTCTGATGGCCCGGGGCCCTGATGTGGATATATCAGAAGTGACAGGCAAGGAC  
CAGGTTGATGCACAGCCAACCAAGAAGGGAAGGGGGAGGAAGCAATGACTTCACATTGGCTACTGCACGAA  
TAGGTTTCTCGTACTTCTCTAAACCCATTGATGAATTATAATGTTTATTTACTAATTATTTAGTTAATCTTCTCGT  
CTTACTTTTTCCAGAATAGATTATTTAAAGTCCTGGAGTAACTGACCATATGTTGTCCTGTTTTCTTAAAAAA  
TTTTGGTGTGCAGTTCAACTGTAATACATAGTTTTCTTTAAACATTTTCACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5208 NM\_111527|Arabidopsis thaliana SFR2 (SENSITIVE TO FREEZING 2); beta-  
glucosidase/ hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds (SFR2) mRNA, complete cds

CAAACCGCCAGTCTCTTTTGGCATAAGGCCGTTGAATAGGTTCTTCAAGGCCTCCTGCATACATCAAACCGTGT  
CTATTAACAGCCCGATAAAATGGTCGAGTCATCTTCTGTTTAGCAGCCAAGTGCAGATCATTCCATGCTTGAAT  
ACGATCTTCGCGAGTAATTTTACCTGAGTTTACTATTTTAGAGAATAGGTGATAAGATTGACGTGGTATTTCGG  
GCAAGATCATTGGCAGCATCAACTGCTACAAGTCCAAATTTAGGACCATAACCATCAGCCCACTCCCAATTGTC  
AGAGATAGTCCAAAACAAATAACCAAGTACAGGAACACCCTTTCATGGTACTGAAGCAACATGCGATACAACC  
CATCAGGATACACCCACGTCCAGATTCATACTCGTCTGACCCTACAAGTTTTAGTCCAGACCCAGATACC  
ACTTCTGCCCCGTAATAGTTGATGCCTATAAAATCAAGTTTTTTTGAATGCTATCTATATATGGGAAAAGTGT  
CAAAGTGTGTTGCCAACGTAACAGCAGCTACATCGAAAAGACCATACGGCCGCATAAAAGAGACATGGTGTGC  
GACTCCGACAATGGAACCTTGACGAGTTACTTTTCTCATGGATATAGTCATAGGCCTGCAAGTGTGCAATGGTT  
ATCCAATGCATTGCCTGTTG

>trans\_c\_5209 BT025578|Arabidopsis thaliana At5g62575 mRNA, complete cds

AAACTTCTCTCTTCTCCTTCTCCCTTCTCCCATTTCTACTCTTCCACAATGGCGTTTTTCTCAACAAATCCACT  
CTTGCTCTCATTTCCGATCTCAATCTCAGGTGGATCCTTCTCACTTCTTCTCGCCGTGGATTTCACGTGCAAC  
CAGGGACTCGTGAAAAGGCTTTATTAGCTGAGGACCCTTGTCTTAGGCGGTTGAGATCACACAAGAAAGCCGT  
CTCTCGACTCAAACTTTTCGGAGATGTTTTGACAATTGTGGTTATTGCAGGATGTTGCTATGAAATCTATGTGA  
AAGCGACCATGCGACAAGAAGCTCGACAGGCAAAGACAGGTAGCGAAAGCACATGATGGAGTTTGTATCCAT  
TGGCAATTAATAATGTCTGGCAAAGTCCTTAATGCTTGCATCTGTGTGCTAAATAAAGGTCGAGTTTTTTTTTTT  
TTCTTTTCTTGAGGGTTTTATATCATCAATAATTTCTTTTGTACCCTTCATTTTGAACATCTTAAGGGGATA  
TCAGAGTACGTTTACATCATTTTGAACACATTCTATGAAGCTTCCATTGCCTGCTTCAAAGCTTGAAATAGAACT  
CGCATGGTCGGTGGGCGAATTTTGCTTCGCTCGTTGATTTGTTGGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5210 XM\_002877622|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata rab GTPase activator, mRNA

CAGCATGGACGAAATTATAAGGGAGTGCAACAGCATGGCCGGGCAACTTGATGTATGGAAATTGTTGGACGA  
TGCTCACGATTTGGTGGTGACCCTCCATGAGAAGATTGAAACTTCGTTTAACGAGTAAGCGGTTGATTGTGTT  
CGGTTGCTAATTTATGTGCAATTCTTCTGCCTGGATCCTTATCTCTCTAGGCTTCTGCTCCAAGGAAGTACATCT  
CGGGGGTAACAACCAGCAGGATGTTTCTTTGCTCACTTCTTAATAGCTCAAGCTCAATCAAGTTGTAG  
TGACAGATTTTAATGATGAATCACTATATAATTGGCATTATATTGCATCCTCACCTTCATCTATTTCAATGGCTG  
CCGTAGCATCAGTAAGACGGGAGTAGTGTATCGGGATGCACCAGTGAAATGATTTTGAATACTAGAAAATG  
TCTGCTTCTTGGTGTATCTTTAGGTGGAGTAATAATCATAACTTTTGTCTCGATCCATGAGTTAATTTTTTTTTT

GTAAACCTGGTTCATGTACCTCAAATATGCTTCCACTTGACAAAAATCTGTATTCAAGTGTTAGTAGGTTTTCT  
TTTTCTTTTTCTTTACAACCTTCAGTTCAACAATACAATTGTGAGGTTGAGTGTAATAACAGTTAAGGATGCT  
TGATCGTTGGAATT

>trans\_c\_5211 Novel Gene

AACTCCCAACGCACATCACACGGATCCCACATCGCTTAATTCCCCCTTTTCCACTTTCCCGACAACGTCTTCCCT  
TCAACCTCCCCTTTAATTCCTCACTCCCTATATAAACCCCTTCTTCTCCCTTCCCCTTCTTCCCTCAAACCCCTC  
CGGCACCGGCCATTCCCCACGCTCTTCTCCATGGACGACGCCTTCTCAGATGCGTCTACCACGGCTGCATCG  
CTGGCCCCGACGCCGGGATCGACCGCCGTCTTACCATAAGAACTGCAGCTGCGCTCTTACGACCGAGATAA  
TAGACGCTGTTCTATTCTTGTCTAAACATAAGTCCGTCTCCTACCCGATCAGACGAGCCTGGAGTGAGGGAT  
GTTTGGCTATGGTTGCTGCTTCTGCGGCTTCTGGCGTTTCTTCTCCTTCTTCCCGTCCATGGATCAGGTCGAAA  
GCCTTGATCTTACAAGAGATGAGCCGGATTGTCGTTCTGATTTTTGCTTCTTATTCTTGTGTTGTTGATCTAA  
TTTGATTTTAGTTTTGTAATATATATCTTATGTGGAATTCTTGATTTGAAAGAGTGAAAGTGATGAATGTAG  
ATTTTAATTACCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_5212 HM122725|Malus x domestica WRKY domain class transcription factor (WRKY6)  
mRNA, complete cds

AAGAAGGAAGAAGTTTTGGGAAATAATAGAGATCAGAATTCGATGGGAAATCCTGGATTGTTATTCTCCGAT  
GCGATTATTCCCAATAATCATAATAAATTTGTTGATTTTCCATTAATCGACTCCATTGATTCTTCTTTCAAGC  
CTTCCACTTTCTGGATTGTAGCTACTCAAGATTATACCCCTTCTTGTTCGATCTTTCTCTCCTCCGCCTCCG  
CCGCCGAACCCCGCTTCTCCTCCGCATCCTCCGCCGTACCGGAGTCTTCTGAAGTTCTTAACACACCTCCCACT  
CCTAACTCCTCCTCGTCTCTTGCTCCTCCACGAACGTGCTTTCGACAACGATGACGTGGATCGGGATAAGTC  
CCCTTTCAACAAACAATTGAAAGCAAAAAAGAAGAACCAAAAAAAGGAAGAGAACCAAGATTTGCGTTCAT  
GACAAAAAGCGAAGTGGATCACTTAGACGACGGTTACAGATGGCGAAAATACGGTCAAAAAAGCCGTTAAAA  
ACAGCCCTTACCCAAGAAAGTTATTACCGTTGCACCACCGCCGGCTGCGGCGTCAAAAAACGAGTCGAACGATC  
TTCCGACGACCTTCCATCGTCGTCACTTACGAAGGCCAACACACTCATCAAAGTCCAATCATGCCACGTG  
GAGCTTTATCCTCCAC

>trans\_c\_5213 AY042844|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

AGAATTATTCAGCCTACTGGTGTGCCTTCGAGTTCGTGTTTGGGGTTTTTCATTGTTACAGTCATCCCATGGCGC  
CTTCAGCTCCGTCAAGCTCAACCCCTGAATTTCAAATGTCTAAAAAGCCACTTGGTTTCTATGCTAACGTACTAA  
AACACAAGGATGGCCTCATTAGTTGTTGGCCATGACTGGTATTTTGCTTTTAAGCTGTGATCTTTGGGTCAG  
AAGTACCGTATCAACAACCTTCAAGAAGACACTACGGCTCTCAACAAGAACACGAAACCTTAGTCGACCGTA  
TGAAGAACATCAAGCGCAGCCTCCTTCATGAGGCATCCCTCGAATCCACTGGCCTCTTTCATCCAGGCTTCGC  
CTTCTCTTCAGCGATGAAGATTGATTGCTTTAAGTCTTCAATCTGTGAGTTTCGTAGTGATTTTCTTCATGCTTC  
TGTACCCAATTGTTACTGGATTTTTGAAATTTCCATGCATTTTTGTTGTTGCAGTTTGTAATTTCCAGAATGCT  
TGGTGAAACTTTTTGTTTACTTGTTCTAATGCAATAAAGAGGTTAATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5214 AY104717|Zea mays PCO108839 mRNA sequence

ATCCTCCGCTTATGATCTCTGGACGGCGGCCGATTACCTCCCGCACCGATCGTGCTTGTTAGTTTTGAACTT  
CCAATTTCTCTGTGATTGGGAAAGCCAGAAGAGAGAATGGCTACAAATAGCCTGAAGAGTATGATTGCCGC

AGCAGTCAGTAAGGGAGTGACAGAAGCAAGGGCAAGGATATTTGGTCACATACTTAACCCAACAGGTCAACG  
ATCTACCCACAAGCTTCTGCGCAAAAACTCATTGGTGACAAAGTAGCACAGTGGTATCCGTATGACATCAAG  
AAGGATGATCCTCTTGTATGGCTCGCCTAGAACAAAGAGCGCTTGCCAAGCTTGAAATGCTAAAGCGTCGTG  
GTAAGGGACCACCTAAGAAGGGCCAAGGCAGGCGTGCAGCCAAGCGCAACAAGTAGAGTCAATGACAGTGG  
AATTGTTCTGCCAGTTATTTTTGTTGTTTTTTCTTAACAAAGTTTAGGTTATGGGCCAGTTTCCTCACGGTTGT  
AATGACTTCTATTCATCATTATGATCAATCTTTCTACAAATGTGTTTGGTTCAAGAAAATTAATGCGTACTATA  
CATGGAAAAGGCCAGAAATAAATTACATACAACGCTTAATCTGTGAATGAAAAGCATTGCTACAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5215 NM\_001188370|Oryza sativa Japonica Group Os07g0620501 (Os07g0620501)  
mRNA, complete cds

ATCTCGAAGAATTCGTCGTCGGATCGGATCTTCTCTTCACTTCTGTTTCTCTCTCAATCAATCAGATCGGAA  
GGTACACTCCTCTTCTCTTTCTTCAATTTTTTATTCTAAGATCTTTTGCCAATCCTTCTTAGTTCCAGTAGTAG  
GTAGATTCTCGTTTTCTTACCGAATTTTTGAATCGGTCTTCCGAACCGTATCATTAGTTTCTGAAGGATTTGAAA  
ATATTCAGATTTCTGGAACGAAATTAAGTGAATCGATTGAAGTTTTTAATTCGGTTGTGTCATTATGGCGCAG  
CGCAGATGATTGACGATCAGGAGTTAGGTTTTCTTGCCAATTCCTCGGCATTTTTATCTTTGCTTTAGTGATTG  
CCTACCATTACGTTACGGCTGATCCGAAATATGAAGGCAACTGAGATGTCGTTGAATCAGATCCCTAGGTCAA  
TCGGTAAAATGCATTACTGTTAGGTGTATACCGTTTTTTTATCTGTATGTTAGGTTTTCCCTTTTTTTTTTTGAG  
GATTTTCTAATCAATGAAGCAACCTTTTAAACATGAAATCGTAACCTATTCTCATGATTTTTTCATGGCTCTTTG  
ATTGTGATCTCATATTAGTTATATGTATTTGATTGAGTTTCTCCCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_5216 NM\_001185624|Oryza sativa Japonica Group Os01g0730600 (Os01g0730600)  
mRNA, complete cds

GGGCGTCGAATACAATACATCAATGGAAGGCCAGCAGGTTTTGAGAATTCGATTCTCTCTGGTTCTTCTCCA  
CCGTATTCTCCAACAGGACGCCACCGGTCGTTGAAAAGCACATTCAAAACGACTTCGTTGAGCCTCTCGGAGA  
AGAAATTGCGACACCCATCACTCGAAATGAGGAAAATGATGTTGGTGAAGAGAAGGAGATGGAAACAGAGG  
AGATGGAAGAGAAGAGGAGAAAGAATAGAGGAAGGAGGAGTTGGGTTTGAACAGAGGAGAAAATTTGT  
TGTTGGAGAGATAGATCTGAGTTATGCTGTGAAGGAGATTTGTGAATGTTGGTCTTTTGAAGAGATGAGGAT  
TGGAGGTGGGAAGAAGACGAAGAAGATGCCATCATTGAAGATAGTATGGCCATGAAAGAGCATATCAGAT  
CTTGGGCTTATGCAGTGGCTTGCCTGTTAGATGATCACAATAATTTAACCATTGTTTTGTTTTATGATGTTTT  
TTCTATGCGAATTTTGAATCAGATCTGTATTTTGTGAATAAGTTGTACGAATTTAGTTCTTAACCTTTCTAAA  
AATAATGTAATCTCCGTTAACCTTCATTTTCTGAAATTTATTCACCTTGTTTTTTATTGTCTTGCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5217 EF108408|Strobilanthes formosanus 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;  
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete  
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATTCTTCTCTGAATTTTTCAAATATTTACTTACAAAATAGCCTTACCCACCAATCTCCATATATTCTATCAAAT  
CATATCTCCTCCCTCCTACCTACCTTCTTTTATCATATCCAAAACAAGTGTACATTTTATTATCTCGTCTCTTGA  
CCGAGACGTTTCCTATTTGAACACGTCCCCAGTTTGCTGTTTGTGAGAGTCAGACACTCTGAAATCGCTCGAC  
CTCGGCCTGCTTCGACTCGAAAAACACACCATTGCGGTTGCGCAAGCAGGTGCGGAAGCGTTGTTCTTGTG  
TGTTCAATTTATCCCTTCACACTTCCCCCTCTCCCTCACTTTTCTTTTCAAATCCATTCCAACCTTTTCGCTTCC  
ACCTATCATCATTATTCTCACTCTTATGTCTACTCTTCTGTTCTTATAGGATCTGAATGTTTTGAGTGTTTTCT

TTTCTTCCTTTTTTATTTTCTTTTACACTATGTTCTGTTTAGTGATACAAGTTATAGTATGTTTGTCAAACATTTA  
ATTATCAAAGCAAAAGTTTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_5218 NM\_001053747|Oryza sativa Japonica Group Os02g0575500 (Os02g0575500)  
mRNA, complete cds

ATATTATATATCAACTCCATTCCGATGCCTGCCACTATTGCCTACATCTTTTGTGCCTTTTTGGGTTTCAAGTAC  
TCATCGGTCTTATCAAAGTCAAAAGATTAGATGAACGGGAGAGGTTGATAACAGGAACCGCTTGAAAAATA  
GGTTTCAGAGTCTTGATTGCGAGCAATGGATCTACTTGCAGTCCATCACCAAATAGTAGATAGAAAGCACTA  
GTCTGGCAATGAGCCTGAGCCTGAGGTATACATCATCTAAAGATCTCAGATGATATGGGTTGAAACGTGACT  
CGTGAGCACTTCTCCAAGCTTGCTGAAATTAGAATTAATTTTCTCCATATGGTTGGTTAACAGCTCTGTTTCT  
GAGTATTTTGAGATTGCCTCGTTGCTCTCCCCAGGTGTGTCGTCAAAGTCGCAGCAGTTATATTTTAAAATTTA  
AACAGCTAGTATAGAAATTGGAATGATGTATGTACCATTTTTATTTGAAATCGGAAAATGTCGATATATTAAGC  
AGAATGCTGCAGCATAGAGTTAGTTTTCTTCCTTCGTTAATGTACATATGTAGATGCAAGAGATACATAATTC  
GATTCCAGTCCCATTACCGGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5219 XM\_002316814|Populus trichocarpa Sec61 transport protein, mRNA

CACCATCAAGCTTAGCTGATATGGCAGCCAATCCCTTCCATGCTCTGTTTTATCTCGTCTTCATGCTATCAGCAT  
GTGCACTCTTCTCTAAACTTGGATTGAAGTTTCTGGTTCCTCCGCCAGAGATGTGGCCAAGCAGTTGAAGGA  
ACAACAAATGGTCATGCCTGGACACCGTGAATCTAACTTACAGAAAGAGTTGAACCGTTACATACCCACAGCA  
GCAGCATTGGAGGAATGTGCATTGGTGCCTGACCGTGTGGCTGATTTTCATGGGAGCAATCGGTTCTGGA  
ACTGGAATTTTGCTTGCAGTGACAATTATTTATCAGTACTTCGAGACCTTCGAGAAGGAGAAAGTCAGCGAAT  
TGGGTCTGTTGGTTTCTAAATTTTTCAATTCGGTTTAAAGTTATAAACTTTTGGTGGTGCCAAAGAGCTCCCTG  
TTAATTTTGGTGCCTTGGGATTTTACAAGCCTCTAATTGTATGAATATTTTAGATTAGAAACGTTACAAGTTTT  
GAAGTAAAGTATAAAATTGATATATTTAGCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5220 XM\_002305440|Populus trichocarpa SAUR family protein (SAUR86), mRNA

AAATCACACTTTTCCTTCTTTTTCTTTTCAATTTCTCTTCAATCAGTTTCAACCATTTCTCCATTTTTTTTTTCT  
CCTCAATGGGGTTTCGTCTTCCATCGTCTTTGATTCTCAGGCCAAGCAATTGCTGAGAAGAAGCTCCGGTAAT  
CCATCGGCGGTTCCGAAAGGTCATGTAGCAGTGTACGTGCGAGAGTTTCAGAGGAAGCGATTTGTGATTCCG  
ATTTCTGATTTGAATCATCTTTCGTTTCAACAATTGTTGAGTCGAGCGGAAGAAGAGTTTGGATTTGATCATCC  
GGAAGGTGGTTTGACGATTCCTTGTGGTGAAGATGCATTTATCGACCTTACTTCAAGATTGCAAGCTTGTTAA  
ATCCATGAAGAACTAGGAAGGAAGGATCTCGATTTTGCCTTTGGCTTCTTCTTTCTTTCTACTTCTTTTTTTTT  
TTTCTTTTTTTTTCTTTTGGGAATGGAGATGTTTCATGTGTTGTTGATGATTTTGCATTCTAACTGATGTTGGAAT  
GTTGATGGAACCAATTACAATACAATGCTTTTGGGTGTTGTAATGAGTGGTGTGGAAAAGGAATTGGTGAA  
CCCTTTTTCACCAGAAATTGTAATGCAAATACAACCTTTTTTCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_5221 NM\_100905|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR)  
family protein (AT1G10310) mRNA, complete cds



AGAAGTCAAAGTTTTGGGAGATTCTCAAAGGAATTTGATTCAGTGATTGATACAAATATCAAAGGAACAGC  
AAATGTACTTCGTCATTTTATTCTCTATGATCGCAAGGGAGAAGAAAATTATTGTGAACATGTCTTCATTGT  
GGGGAAGAATTGGGGCTCTATGTTCTCACCGTATAGCGCATCAAAGTGGGGAATTGAGGGATTGACGAAGT  
CGATTGCAGAAGAGCTGCCAAAGGGAATGGCTATTATTGCACTTCATCCTGGCATTGTAAACACTGACATGCT  
CCGCACCGCCTTCGATGATTTTCGCCTCTAATTACCAAAATCTCAACAATGGGCTACGAAGGCAGCTTCTATGA  
TTCTCAATCTTCAAGTGCTGATAATGGTGCATCTCTACTGTTGAGGATCCTGGAATTCTTGTTAGGTGAAAT  
CTCTTGATTTTCATCGAGAAATTATATATATTGTCCAAGAACTTTCTTATTAGTCTGTGTTTTTTTTTCTCTCT  
TACTTATATTATGATATGTTTCGTTGTTGTTATAATAATTATAATTATAGTTATTATTATTTCTCTACTCCGAGAC  
ATATTAATGTTGTGTGAGGAGAATATTCAACTATAACGTGGAAATTACTAATTTTAATGAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5222 XM\_002330426|Populus trichocarpa p-type ATPase transporter, mRNA

ATACATGGTAAGCATGATGCTTCAGGTGGCAACCTTTCCGTAAACTACATGGGTCATCCCTTTAACCAGAGTG  
ATCCGAAAAACAAGCGTTCTGTACGCCCTCTGGCTGCAGTTGGTTTTTCCCGTTATTACCTCTGATTTGTT  
TAGAGATCTCAATGACTGGCTGAAACTTGTTCATTGCCTGCGGGAATGAGGGATAAGCTTCTGGCTTGGGCA  
CTTCTCATGTTCTTGTGCTGTTACTCTGGGAAAGACCGTTGAGATTTATGTTCCCGGTAAAATTCCAGCATG  
GCGGAAGCGACAACGGCTGGTGGCTGCTAATCTGGAGAAGAAGAAACAGGTCTGAGTGAAGTTTTGGGTGG  
AAAGCGCGGCGGAATCAACAATTGATGATAAGCAATGGGGATTGAGCCCATGTATTGTAGGAATAGAAGGA  
ACTGATGATTTATTTGCCACTGAGGCTTACTTGGTGGTGGAAATTTGTCAAATTACTTTATAAAATTTAGG  
ATTAGACTTGCTATTTATGGGCAATCTTAGATTGACAACTATTGATTGATTGCTGTTTTTTCTAATCCAAGGGATG  
TAAATGACGCAATTACTCATCGGTGCTTTATCCTAATTTAATGAAACGTTGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5223 EU170654|Prosopis juliflora chloroplast photosystem II PsbR (PsbR) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CGAGCTAGAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGCTTATCGATCGGAAATGGCGGCCTCAGTGATGACCTCAGT  
GAGTCTTAAACCAGCTCCCTTCACCGTCGAGAAATCGGCGAGAGGTCTTCATCTCTGGCGAGAACTCCGCC  
TCCTTCAAGGTCGTCGCCAGTGGTGGGAAGAAGATCAAGACCGACAAACCATACGGAATCAATGGTTCGATG  
AATTTGAGGGATGGAGTTGATGCATCGGGAAGGAAGCCCAAGGGAAAGGGAGTGACCAATTTGTGACAA  
GTACGGAGCCAATGTCGATGGTTACAGTCCCATCTACGATACCAAAGACTGGTCTCCAAGTGGTATGTCTAT  
GTTGGTGGTACTACTGGGTTAGCCATTTGGGCAGTGACTTTGGCTGGTCTTCTTGCTGGAGGTGCTCTTCTGT  
GTACAACACCAAGTGCTTTGGTGCAGTAAGGTGGAGGGAAAGTTAAAAGTCTTGTTTTTTCTTCACATTAGTTTT  
TGTAGCATGTTATTATTATGAACATACATTATTATTAAGAAATTCTGTGTGTAATTATCTGGATAATTGCTTCAT  
AAATGCTTGGTAAGATAATTCTTCTCGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5224 AB177845|Arabidopsis thaliana IRK1 mRNA for IRK-interacting protein, complete cds

CACCAAGATCGCCAAGCACAGTTCTCGTCATTTGTGGCGCTGCGAAATCTCAGCTGGAATGAAGTGTTAAGGA  
AGGGAACAAAATACTACAGCGAAGAGTTCAGCAAGTTCTGTGATCAGAAGATGAGTTGCATAATCACAACCTC  
GAATTGGACCAGACCATGGCCAGAGCAACTGCTTCAAGCATTCTTTGTAGCAGGCAAATGCATTTGGCTGCTT  
CACTTGCTCGCCTTCTCGTTTCGATCCACCACTTAAATCCTTAGAGTGGAAGAGAACAGAAGCTTCGATTTCGAG  
TTACATGGACGACGCGTTTGCAGAGAGGCAGAAAAATGGTCCGAGCCGGGTTAAGATCATGGTGTATGCCAG  
GGTTTTATGTACAAGAAAAAATTTAAGGTGTAAAGTAGTTTGCAAGGTATAAGTCACCTTGCTTAAAGTGTGTTG  
GGGGATTGTTCTTAATGTCCTTTTTGTTGAGATTTCCCAAAGTTATTTAACATCTCAACTCAATTAGATGTTT

ATATGTTGGGGTTTGTAAAGGTGATCATCTTATATACTTCTTCATATTCATGCCATCGAAGTTATTTGGACACTGC  
ATTTTTTCAAGCATAACCGGTAAGCTGTCATATATAAATTATATAAGAATAGAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5225 Y14573|Hordeum vulgare DNA for chromosome 4H

CAATATCATATATTGATGAGATATCCAAATCTACTCCCTGCAATTTTGTATCTTTCTTTCTCCCTCTTCA  
GGTCGTTCAATCTCCCATTTGTGATTCTTCTTTACAGCCGGTATCGTACGGACCGACACCAATGCTCGGTATAAT  
TCTTAATATATCCGTTTATGACAAAATGAAACCTAATAATTGGTTATGAAAGCTTGGACTGTGTTCTTCGTGAA  
TTTGCACTACTTGAAAGCTGTGGCACGAGGATTGCTTGGGCTCCCTACTGGTTAGTTGGAGAAAACTCATTCC  
ACTTCCCTGCTTTTGATTTTCATTGTTTAGTTACTGTTTGATGTTGTTTATGTAATTAAGTATTTTGAGGACTGA  
AATTCTGAATGCGAGATCATATACATTTAATTTTCTTAAGTACTTCTCACAATGTGTATAGCTCATTTCAAATAT  
GGTGTCTTGAGACTTATTGGACAGGAGGAAATATTTAATTGTGGGTATAGACTTTTTTGTGTTTGTGTTATTCAT  
ATTGATGTATGGTGGTTTGGTTTTCTTACTGAGCTTGAGTAATTGGATCTATCTTGATTGAGATTGGTTCTT  
CTTGATTTGATTTTATGAATATGAATTAAATCTTTATGATCAATCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_5226 XM\_002884740|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata reticulon family protein, mRNA

TCGATATTTTGGGAATCCACAACCTTTTTTCTCTCCTCGTTTTCTGTTCTTCTCCCTCCCGTTTTTGTGTAGTT  
CTGAACGGAAAATTTTCAGAGCCCATTTTCATCTGTCTGTTCTGCTTCTCCTTCTCAATTTCTTACTTGAAGAAC  
CTTTAATTTCTGCTCCTGCTGATGAGAACTATGTCTGAGAAGATGATTGCTGAGGATCTTTTAATAACATTTCTG  
AAGTTCTTGCTGAACATGGTCAAAAGGGGAAATCAGTTTCATTTTTCGGGGAAGATAATAAAGCAAGTTCGGT  
GGCTGGTCAGATCAATAGGATATTTGGACGCCAAAAACCTGTTTACAATCTTCTTGGGGGTGGAAAAATCTGCT  
GATGTGCTCCTACGGAGGAACAAGAAAATCTCAGCTAGTGTTTGACTGGTGCAACTATTATATGGGTGCTTT  
TTGAATGGCTTAATTACCACTTCTTGAATCTTGTGTTGCTTCGCTTTGGTTCTTGGCATGTTGGCTCAGTTTATATG  
GACAAATGTGTCAGGATTTCTGAACAGATCATCGTCCAACGTTCTCGCCTTGTCTTCCCAAGGAATATTG  
TCAATATTGCTGTTACGTTTGGGGCCGAGGTTAACCGGGCCCTCTGTTATCTCCAAGATATTGCTTGTGAAAGA  
AATTTG

>trans\_c\_5227 Novel Gene

ATGTAGTGCATGCTTGTGGAAATTTTATGCAGTCTGCTACTACACATCGTCAGAAGGTAAATCTACCATCCAA  
GAAGTGCTCAACAGGCATGACATTACAAGACCGGCTGCTTCTACAGAGTTCGAGTGGCTTTTGGATTCCGCAT  
TATTGGTCTTACCTGTGTTAATATTGTTCCATCTTTGCTCTTGCTGTGGCATATTCCGTAAAAAGGCAAGGACAT  
CTGTTTCGGGGTACCAACACCAACCATGGACGTCGTAAGGCTAAAAAGGGAACCTCTGGGAGGTGAAGTGTA  
CATCGTTTCCTGGTCTCTGTTGTAGACGAAATTTTAAAGATGGACAGCACATCTTTGGCTTCCCAAATCCTCTA  
GAACTGGAACGGAAAGGTCTGATATTTTTTGAAGCTCTAACAGTTTCATCTCCTTTGTTAGCCATGATCATCA  
CACACGCTGCTAAAAAATATCCAAGAAGTTTGAAGTTGAAGTTATACTCTGCTTTTCATGTTTGAATGTGAT  
ACCGGAGCTGTACCAAGTTTTTGTTCGATGTGATGTGTTGTAAATAGTCACGAAGTTAAATAAATTATTTAA  
AATTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAACAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5228 NM\_127451|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein  
(AT2G18940) mRNA, complete cds

AAGAGATCCTCAAGGGACTTATAAAATCTGGCGAAAACCCCGATCTTGTCGTGATAACACCATAATCAAAGG  
CTTCTGCCGACAAGGGCTCATGCAAGAAGCAATAAGAATTATGTCGGAGATGACAACTCGAGGGATTGCGCC

TTGTATATTCACGTACAACACTTTTGTCTCGGGGTATGCAGGACGCAGAATGTTTGCGGAGGTAGATGAAGTC  
ATAAGCTACATGATTGAGAACAAATTGCAAACCCAATGAACTTACTTACAAGATCATAGTGGATGGTTATTGTAA  
AGCAAGAAAATATCAAGATGCTATGGATTTTGTCTTTGGGATCAAGAACATCGATGATTGTTTGATAACCAT  
CCACGCAAAGACTTGCTTCCCATGTAAGGGACATGATGAATACTTGATCTCTCTAGGTATTCTGCTTGTAATT  
TCTTTGTTCAATTATAGAGATATATAATAATCATTACAAAACATCAAGCACCTTAGCAGCTCTTCTGTAACCTTT  
TCTGGTTCGTTGCTTGATGGTCTGGTAGGAATATATGAGTTATTATGGATTCATTTTCATGAAGTTTTGCAGCT  
GTCTCAGTTTCAAAGATATCATTTATCAATGAATATAAATTATGGTTGTAGCAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5229 FJ871001|Gossypium hirsutum ATP synthase epsilon subunit 1 mRNA, complete cds

AGAGTGTAAGAGAATTGAGAAATTTTTTCGAGACACAGGGAGTTTAGAGAGTAAGTCGGAGAACAATGGC  
GTCGAATGCAGCGGTACCCTTTTGGAGAGCGCGGGGATGACTTACATCACATACTCAAACATTTGTGCCAAT  
CTGGTCAGGAACTGTCTCAAGGAGCCTTACAAGACCGACGTTCTCAAACGTGAGAAGGTTCATTTTCCGTTTC  
CAAGTGGGTGGATGGCAAGCCCCAAAAGCCCACTGTTAGGTGCGACACTCCTGAAGCGTGAAGGTGTTGGTA  
GTTGCCATTTTGAAGGTGCTTCTGTTTTCTTATCAACATTTGTAGGATTGAATCACTTTTTGAAATCAAACCTTT  
CATGGAAATGGATTGATGAATCTCTGAATTTCCATAGGTTTGCAAATGTAATAAATCTTGCTATTAAATCAA  
CTATAAAGTTTTTATGTTTGGTTTTTCCATGAACTACACTCCGTATCCTGCCACTTTGAGCATTGGATCTTCAT  
AAAAATAATTTTTCTGTGTTGTATTATAGTCTGTCTGATGTATCTTTTAGTGTTCTTATTCAACCACTTCTGTTG  
GAGGTTGAACTAAAAACACTTCCATTCTTATATTCTAAACCAAAGCAGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5230 NM\_125711|Arabidopsis thaliana BT1 (BTB AND TAZ DOMAIN PROTEIN 1); protein  
binding / transcription regulator (BT1) mRNA, complete cds

AGGATGTGGGCGGTGTAAGCGCATGTGGCAGCTCCTAAAGCTCCACTCCTCCATATGCGACCACTCCGAGTGC  
TGCAAAGTCCCTCTTTGCCGGAAGTTCAAACAGAGGTCGTGACGTCGCCGGACGAAAAACAACAGCGGAAG  
GACGACGCACAGTGGAATAATGCTTGTTGAAAAGTGTTTCCGCAAAAGCAATTTCTTCTTTGTCTTTGACTAA  
TAAGAAGCTGTCGGATTTGGAGGAGGATAGGATGATTGGACACCGTGGGATTGGGAGCTTTAGGTTACAATC  
GGTTCGACGGTACAGGTCATGAGTATCATGATTCAAAGGTATATTCATGGCGTTGTGCAAAAATGTGTGTTTT  
TGGGAATGGGGTGGTGAAAACTGGAAACAGGGGAATGTTTGATTTGTAAATTGTTTTTTTTTCTTTCTATTT  
TTTTTGTGTTTGGAGCAGTTTTCTTTCTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTTGGGAGTAGATGAAGGTTTATTAT  
AATGCATGAATGAATGAATGCATTGTAAAAAAGAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAGGTAATTACTCTTAGAAAGA  
AAGGATGTAAAAATCTTAAGTCTGTGTACCTCCTCCATCCATATATGCTAAAAATCATTGTTTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5231 XM\_002875601|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase, mRNA

AACCCCTCCTAGTTTGCTTAGACGACCTTCATTTCCGGCAAGAACGAGGCAAGTTGGGCAGCAAGATGTTCCA  
GATGCAGTAAGTTCCGTGGAAAGGATTCGTCAAAAGGAAACACTTCCAGAGGAGAGGACTTGCCATAAAGTG  
CACAGTAGCCACCAAGATCATGTCGTGTCTGTGGAGTTAACAAAAGAGACACAACATATCTTTCAGAACCTT  
GTTCTAAAGGAATGCAAACAGACAGTAGCAATTCTGTTTCATCTTCGGTGTGATTACAGGGATTTGAAATTTGT  
GATGATGCAGCAACTCCATTTGCTGATATAGCCGAGCCAGTTTTTGACCATCAAAGTATTGAACATGATGAAA  
TTGAAGAAATACATCCTCCTGTCTGCTCACCTTCTTTCAGTACGAGATGTCCGAACATAACCTATTAGAGGAC  
AAGGGAAACCACGGAGTCTATGACAAACCAACAAATGCTCCTTTGAAATCTCCAGCGACATTGTTAATCTTC  
ACGATACTGAAGTTGGTATTAAGAAAGAGAGTCCAGTGTGGAACCTCGATCTTCCACTGAGATCTGAAGGAA

GATTTGTCTTTAAAGACGATATACCCATAAACATGCCTACAAATGGTTCCAATATGGTATCAGAGCAAATTACA  
ATCTCTTCGCATGGGGACG

>trans\_c\_5232 AJ632083|Catharanthus roseus mRNA for zinc finger DNA-binding protein (zct2  
gene)

ATTCTCTTCACTCAATCGAAACCAAAACGCCATTTCCGTTTCTAATTTTCTTCACACAAACAGAGAGAGAG  
AAAGAGAGAGAGAGAGACTACGTTTTCCAATATTCCTTACCATCATTCATCATGAAGAGAGAGAGAGATCTCG  
AGAGCATAACAACCATGGCGAACTGCTTGATGTTACTTTCTCGTAACACTGCGGCAGATCATTTGAATCCTCG  
TCTACTAATTCATCTTCTCCGAATCGTGTGTTTTGAGCGCAAGACTTGCAATCGGCAGTTTTCGTCGTTTCAGGCG  
CTTGAGGACATCGTGCTAGTCACAAGAAGCCGCGGATTGTTGGAGGAGATGGCGGAAACTCCGATGGATCT  
TCATCGCAAGGTTCTCCGACTAAGCCGAAGACGCACGAGTGTAGTATTTGTGGATTAGAGTTTGCGATTGGTC  
AAGCGCTTGAGGACATATGAGAAGACATAGAGCAACAACGCTGTTGAACGATGCTCGATTACTTACTAATC  
ATCCTAGAAGATCATTATCTCTCTCCGCCGAAACCGCCTGTGGTGAAGAAGAGCAACGGCGGTGGGAGAA  
TTCTGTGTTTGATCTGAATTTGACTCCGTCTGAGAATGATAGTAGGTTTCTGCAGCTTGGAAGAGTGTTTCC  
ATGGTTGATTGTTTCTT

>trans\_c\_5233 GQ998241|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 cytochrome b6/f  
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

GACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAATATGCGCTGTTTTGCGGGTAAGGAGTCTTTAAAAA  
TTTTTCCAGTAGTCATTCTAGGTACTATTGCATGTAACGTGGGCTTAGCGTTCTAGAACCATCAATGATTGG  
TGAACCCGCAGATCCATTTGCAACTCCTTTGAAATATTGCCGAATGGTATTTCTTCCCGTATTTCAAATACT  
TCGTACAGTGCCACGCGGTGGCGGTTTGTGGAGTTTAATGGTTTCCGTACCGGCGGGATTATTAAGTGTACCA  
TACCCGGAGAATGTCAATAAATCCAAAATCCATTTCTGCTGTCAGTAGCGACAACCGTCTTTTTGATTGGTAC  
CGCAGTAGCTCTTTGGTTGGGTATTGGAGCAACATTACCGATTGATAAATCCCTAACTTTAGGGCTTTGTCGG  
GCCAATTGATAGGAAGTGCCGTATGACACTCCAAAAAGCAGCGAGAAGCCATCGAATTAGAATGTTGTTCCC  
ATCCGCCAGTCAATTCCGCTGCCGATTCTGTTTCTACACTGGAGCGATTTGGTTTAGGGGGATTCTTCTGGTCGG  
GAATCCTCATCTGGTTCCATGATTTCTACTGTGTGGTTGATTTGAAACGGGTCTCTGAGAGCCGCGGAACCG  
GCATGTCGTCGGAGA

>trans\_c\_5234 Novel Gene

CATCTTGTTTGGCATTATTGATAAGAATCCCTTTGCAGAACGTGAAATGAACATTACCCATTTTCTTCTGATC  
AGTTATGGTTCGTTCCACTTTCTATCACTTCAATAGCCTCCCTGTCTTTCTATCCAGCTATCCCGAGCCAGACAT  
AATAGCTATCGAACTGCGACTATAATCAAGTGAATGTTAGATTGCAAGAAGATGTAGGAAGGGGGGAGGGG  
CAAATCTGACGAACAATCTTGAATACAATGTACCTATGGGACTGAGCTTTTGAAGCAGTGGGTGGTGCCTTCC  
TGTTGTGGTGTGGGTACAGGGTCAGGTGAGAAAGAATCCAAGGGCAGGAGGGGCCTCATTAGAAGGGCCG  
CAAGATGATAAGTCTGTGTTTCTGGCCGTGGATCTTTCGTGTTGCTCTTTTTTGGCTGGTTGTTTACGTACC  
GACCAATTAATTCAATGACTTCCTCATAGTTCTTAACAATCCGTTTTTGCCAATGGAAACATGATGCTTCTTCT  
TGATTACTGATAAAGCCGGTCTTGTCCCAATGCAGGCAATGGTTTGCTTAGGCACTCCTTGATCTGACATCAT  
TCAATTCATTGTCCAATCATATAATATTAATTTAAATTTAACCTATCCACTTAAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5235 XM\_002881911|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protease inhibitor/seed  
storage/lipid transfer protein family protein, mRNA

CCCAATACTAACTCCACACTCTGATCCTCATCATCATAGTTTTAATGGCTCCCTCATCAGCTCATTTCTTGTTTGC  
TGCCTTGGCTCTGCTTTCTGTGGGGTTTGTGAGCTCCAACATAGACCAAGACAGGGCGGAGTGTGCGGACCA  
GGTGGTTGGGCTCGCTACTTGCTTGCCATACGTTGGCGGCGAGGCTAAGGCACCCACCCCTGACTGCTGTAGT  
GGGCTTAAGCTTGTGCTTGATAAGAGTAGGAAATGTCTTTGTGTGTTGATTAAGGACCGTGATGACCCAGCC  
TTGGACTIONAAAGTTAATCTTACCCTTGCTCTTGGTCTTCTCTGCTTGTCACGCCCCAGCAGACATCAAAGATT  
GCATCGGGCTTCTCCATTTGTCGCCAACTCCCCAGAGGCTAAGGATTTCTTGGGTTCGTCCAACTCCAAGGAA  
ACTAACACTTCTTCATCAGCACATGCTACTCTGTAGTGGGAATTCCTCACAAAACACAGAAGTGAAGAATGG  
TGGAACGAAGAGGAATAATCAGTGGTTGGGTGTGGAGATACTCATTGCTTTATTACTTCATCTTTCTATTCA  
CTTGATTTGGTAGTTTCTTTTTTTTCAAATTAGTTTTTAAATCCACTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_5236 NM\_001072371 | *Oryza sativa* Japonica Group Os11g0167500 (Os11g0167500)  
mRNA, complete cds

GACTACTGATAGATTCTGACATTACCAACTTGGCTAAAAGAGACCCATTTCTCTCTTTTTCTTCATAATCTCTTC  
AAAATTCTGAGAGTGATTTTAAGGGTTTTTGAAGATGAAATTTTTAGGGTTGAGTTTATGGAGATGGCAATT  
CATGAAGCTTGAAATAGGATTGCAAAATCAGGGTCTTCTTCTTCTTCTATTCTTATGTGGTTAGTGACAG  
ACAAAAACCACTTGTTCTTTTTGCTGTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTAAACTTGATTTTGAAGCTCAAATCTC  
AATGGAAGCACCATAATTTGAGATGGCAAAATTCAACTGTTAGGTATAGTTATGATCTTCAAAGCTATTCTCTT  
AACTTTGATGATGGTTTGGTTCATTGATGATGATGATGATGAAGATTCTACTCTGTTTCTTAACGCTGACA  
TATTTTCCCTTTCTGAAAACCACTTCTGTATGTAAACTTCTAATAATTAATGATCTTAAATGGGTTTTGTTTT  
TAATTTGGGAGCCAGCATTTTTTGTTCGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTCTTAATTGTGAATATGCTTCTCAGCT  
TCTTTGGTTTCTATGATTATAAGAAAACCTGTCAATTTCTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_5237 AB243085 | *Codonopsis lanceolata* mRNA for NADP-isocitrate dehydrogenase,  
complete cds

GTTTTGGTTTGTCTGATGGAAAGACAATTGAAGCAGAAGCAGCTCATGGCACTGTTACACGACATTTTAGGG  
TTCATCAGGGAGGTGGTGAACCAGCACAAACAGCATAGCGTCCATCTTTGCTTGGTCTCGTGGTCTTGCTCA  
CAGGGCAAACTAGACGACAATGCTAGTCTTGGAGTTCACCGAGAACTAGAATCAGCTTGTATTAGTACT  
GTGGAATCTGGAAGATGACCAAGGATCTTGCTCTTATCCTTCATGGATCCAAGCTTTCTCGTGACCAATATCT  
GAATACTGAGGAGTTCATTGATGCTGTTGCAGAGGAACTAAAATCCAGACTCCTCAAGGCATAGTGGCTAGAT  
TGCGAAGACTGATTGCTGAAATACATGAAATGAAGTAGAGAGGCGACAGACTAACAAAACGGGAACCTGTG  
TTGAATCTGTTGTTGGGGGCTCTCTGAGGTTACTGTTTTGTTCTGTGTTGAAAAATGTTGACTTCAATTGTCAA  
AAGTTGTCATAATCTATTCCATTCTAGACTTCGCTTGAACTGGAATGTGTATTTTTGTCTTTTAGTTTTAGT  
TTAGTGAGTTGCTTGCAATAAGTAATCAATAATCATCTTGGTTTTCTTGGTTTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5238 Novel Gene

TCTCATCTCTTTCATTCCCTTTAAAATGGCGTAAGAGGAAGAGAGCGGGAACGTGTATCGTACAGCTTCTCTTT  
GCTTTCTCTCCTCTTCACCCCTTCTCCCCTTCAACCTCAATCTCTTGCAATTGAGATCTGCGCTTCCGTTTTCTG  
CCTTTCCATTTCTCTCTCAAGCTTTCAGGTTGCTGTTATGGCTCCTTCAAATGGAACAACAACAATGCCCATC  
CTTCCCCACACCCACCATTGAATGAGAGAATACTATCATCCATGACTAGGAGATCTGTTGCTGCACATCCTTGG  
CATGATCTTGAAATAGGACCTGATGCTCCAAGATTTTCAATTGTGTTGTTGAAATAGGAAAGGGAAGCAAAG  
TGAAGTATGAACTTGACAAAAAACTGGTCTGATCAAGGTCGATCGGATTCTTACTCATCTGTTGTGTACCCA

CACAACTATGGCTTCATTCTCGAACTCTTTGTGAGGACAACGACCCCATGGATGTCTTGGTCATCATGCAGGA  
GCCAGTTCTTCTGGATGTTTTCTGAGGGCTAAAGCAATAGGCCTCATGCCTATGATCGACCAGGGTGAAAAA  
GATGACAAGATCATAGCAGTTTGTGCTGATGATCCTGAATATCGTCACTACAATGACATCAAGGAGCTCCCAC  
CGCATCGAT

>trans\_c\_5239 GU983666|Malus x domestica apetala 2-like protein mRNA, complete cds

TCTCTGTATAAATTTCAATTTGGCAAATCTTCATCAATCCAAAAAGAAAAACAGAGAGAAAGAAAGAAAGAA  
GGTGAGTTATTAAGGACGATGGATGGATGGGGTGCGAGGCTTTCTTTCGGTTAAGTAAAATAAGCCCACCT  
ACAAAACCAAACGAAAAAAGAAGAGAAAAAAAATAGACTTGAACTCAGATATCCTTTGGAAAAGGCAGAA  
GAAAAAATAATGTGGGATCTGAACGATTGGCCTGATGTAAGGGAGGAGGATGAATGTTCTCCGCCAAGA  
CATCCATTGAAGGTGAAGGAGATGAGGAAAAAGGGAAAAGAGTGGGATCGCTTCCAATTCAAGCTCTTCTG  
CTGTGGTTATGGAAGAAGAGGAGGTGGAAGTCGAAGGTGGTTCCGATGAAGAGGAACCCACCCCATGGTT  
ACTCGCCAGTTTTTCCCACTCGAAGAACTGAAATCCCACTCCCCTTCCACATGCTTCTACCACTTCTGCCCC  
CCCGCTGCCGCTGCCGCTTCCCTCGGGCTCACTGGGTGGGGTCAAATTTGCCCATCCCGATCCTCTCGCCGC  
TCTTCTAATAATTCTTTAACCCCAACCGACCTCTCTACCCCATTAAGAGAGCCGCCGCGGCCCAAGGTCAC  
GTAGCTCCAGTACCGCGGCGT

>trans\_c\_5240 BT029254|Arabidopsis thaliana At1g64405 mRNA, complete cds

AAAATTCTCTCGTTTCCTTCTCTCACTCTTCTTTCTTACCTCAGTCACATTCTCAATTCCAAATTCTCCGGCC  
AACAATCCACGACGGTGGTGGCAACATCGTAATATTCTGCCTGGTATCAATGGGCAATTGTGTTGAAGTATTG  
TCGAGGCAGCGAGAAGAAGAAGGGACAACGACAACAACGTCAACGAGGGAGATGGAAGAGAAAGAAAAG  
AAAGGAGGAATGAGAATAAAAGTAGTGTTGAGAAAAGAGGAATTGGAATGGCTAACGGAGCAAATCAAGG  
AGAAAGGAGGGAAAGGTTTAGAAGAATTGTTGGAAGAAATAGAAAGGGGAAGAAGAGAAAAATTAGAGAA  
TTATTGTAGTATTCAATACAGTAGTGTTTCTTGAAACCTTCTTTGGAAAGTATTATGGAATGTCCAGAAATTCC  
CGATCACATGTTAGATAGAAATTACAGCAACTGATCTATTTGGTAAATCAATTGAGATACACATATATTATTG  
TTGGAGATGAAGGTGTTTCTTTTCATCATCCACCTCACTCTCTTCTCTTGCCTTCTCCTATCAACTAGATTAA  
TCTTTTTTTTTTCCAAGCCAGTTTGTAATTATACATTCTGTTCTTATTGGAGACCTTCTTTCCCAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5241 FJ384629|Gossypium hirsutum tonoplast intrinsic protein (TIP1;1) mRNA, complete cds

TGTACGCAACCGCAGTGGATCCCAAGAAGGGCAGTTTGGGAACAATTGCACCCATCGCAATCGGTTTCATCGT  
CGGAGCCAACATTTTGGCCGGCGGAGCATTACCGGAGCCTCCATGAACCCCGCCGTGGCATTGCGCCCATCA  
GTCGTCAGCTGGTCATGGGAAAGCCACTGGGTCTACTGGGCCGGACCTTTGATCGGTGGTGGCCTTGCTGGT  
CTCATCTACGAATTCATCTTCATTTCCAACCTCCACGAGCAACTCCAACCAACCGACTACTAAGTCAACCACCAC  
CACCACCACCCACGGCGGATGCGGCGGCGACGGCGGCCACTTCTTTCTTTCTTTTAATCTGGTGTATTTGG  
TTTTGTTAAGTTAATTTCTTTATCGGATGGGTTTGGTCGTGTCTCATTTGTGACCGTTGGATCTTTACATGATTT  
AATCATCATCATCATCATCATCATCTTTGTGGTCGTGTTGAGTGCCGTGTCTGGACCCTGCGATGATT  
TGATTGAAGATGAAAAAGAAATCAGGGCCACATTGTAATTTATGTTATTCTGCTCCTGTCTGTACGTGATTTAT  
TTCAAAGCCTTTTATCTTTTCTCCCTTCTTTGTCCATTCGATAAGTTTTTAAATTAAGATTTTCTTTTACAA  
TTCT

>trans\_c\_5242 AY065838|Brassica oleracea cysteine protease inhibitor CPI-1 (CPI-1) mRNA, complete cds

AAAATCCATCAATCAATCTATCCATCAATCTCTCTGATTTTGAAGTGAAGAGATCGTAATGGCGACTGTTGG  
AGGTATTAAGGATGTTCTTCAAACGAGAACAGCATCGAGATGGATGAACTTGCTCGTTTTGCTGTTGCCGAA  
CACAACAAGAAAGAGAATTCATTCTGGAATTCAACAAGGTTGTGAAGGTGAAGCAACAGGTGGACGCTGGA  
ACAGTTTATTACATAACTGTTGAGGTAAGTGAAGGAGGCCAGAAGAAGGTTTATGAAGCCAAGATCTGGGTC  
AAGCACTGGGAGAATTTAAGCAGCTTCAAGAGTTCAAGCTTGTGATGCCTCCGTGGGCTCCTCTGCTTAGTT  
TGCTAGGGTCCTAAAATCCATGATGATGCGTGGAATAATACGAATGGAGCAGAATCCTTTTCTTTGATGTGT  
AGTGTCTTTGATTTAAATAAATTCTGTAAGCTTATGGAGTATGTATGGATATTTATTATCAGATCTCAATAGTTG  
TTGTGAATTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAACCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTATT  
AAACCCCCCAACCCAG

>trans\_c\_5243 Novel Gene

ATTGAAGAAAGATTGAATTTGAATATCAAAACCAATCCACATGAAGAAAGGGCTATTGATTTTGTTCTCTTCT  
CCATTCTCTGCCTCTATCTTCTCCATTTTGCCTATGCGAAACCAATTTCACTACCAAAGCTGATGATCATGATAA  
GCAGCTGAAGCAGGGGAGGCCAGAAAAGGATCCACAGATTTACAGGGCAGTGAAGAATTACATGGTGGAG  
CAGCTGTGGTGACGGTTATGCGAGCAAAAGCAGTTTACGGCGGTGCGAACGACATTCACCACGGCCGCTCCA  
AGAATGATGCTAACTCTTACGGATCAAATCAATTTCTCGTTGGTGTGGAAAGTTTCATTTGGATTCTTGGTT  
TCTGTCTTATTGTCAAAGGTTTTAAGCACCAGAAGTTCTGTTGTAGGGTTTCAGCAGAGCAGTTGTAAGTGTC  
ATGGTTATGCAATGGCTTATTATAAACCTTGTTTATAGCCAAATGTTAATTTTGAAAACCTGATTTTGAAGCTT  
CATAACGCACTCTTTTCTTTGTAGACCAGAATCTTGTTCTTCCAAGTCTGTTTCCCAAGTTCCAAGTTAGTAA  
TTTGTAATTTCTTTTGTCTTTGAATCAGAAATAAATTGGTTTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_5244 X85038|S.oleracea mRNA for 6.1 kDa polypeptide of photosystem II

AGATCCAAGTTTTACAGCCAAACAAAAGCATTTCCTTCATCCTCAAGCAGGTGTTTTAGCTGCAAACATGGC  
TTCTACTCTGCTTCTCACTCCAGGCTTTTACTCAAAGGACCATCCAAGCTTCTTCCATCCTCAACAATGGCAGC  
TCACAGGTTGCCACGTTGCAAAAGATGAAGATGGGAAGGATAAAATGTAAGGTGGAAGAGAAGCCAGAAG  
GGAAGAAGTCAGAAGAAAGCATGGTTCCGGGGACAGTGGCCGCAGTGGCGATGGCTGCATTGGCGGCAGC  
AGGACCTGCGGTGGCGCTGGTGGATGAGAGGATGAGCACAGAAGGGACAGGGCTGCCTTTTGGTTTGAGCA  
ACAACCTTCTTGGGTGGATTTTGGCTGGGATGTTTGGTTAATTTGGGCTCTATATTTGTCTATGCTTCATCCT  
TGGATGAGGATGAAGATTCTGGTTTGTCTCTTTGAATCAATCACCCAAATTTCTTAAATGGAAGTAATGGTTG  
TATTCATTTTTTACCGTTACCCCAATTGCTCAGTTCAACCATAACTTTTCATGTATTAATTCCAAGTATACATAT  
CTACATTTTCAGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5245 Novel Gene

CACAAGACATAGCTTTATTTTTGAAGAAGATTGGTTTCGACAAGGATGCTACCATATACTTGACTCAACCGAGA  
TGGGAAAACAGTCTTGATGATCTCAAGGATTTATTTCAAAGACTTACACAAAGGAAAGCATAATGCCTGCTG  
ATCAGAAGGCAAAGTTTTTGAATTCAAAGAGTTCAGAATATGAGAAAGTGATCGACTTCTACTTATGTAGCCA  
AAGCGATGTATTCGTACCAGCGATTTCCGGTCTCTTCTACTCAAATGTTGCAGGAAAGAGGATTGCTTTGGGA  
AAGAATCAAATACTGGTTCCAGCCACCATAGAGAACCCACTGCCTCTGCTTCCAATTTCTCTCTTACATC  
ACAAAGAAGAATCACTTGGCATACTCGTGCTTTTGTAGGTTTCATAGTAAAGATAAATGAAGAGACGAGCAAC  
AGTATCGATCTCTATTTGCGTTGCGTGATCGAGCTTTGTGGCCAGCAGATGACAGCCCAATTGTATTGCATA  
TGTTTTCCATATTGTTTCTTAAGTGATTCTAAACAGAAAAAATTATTTGTTAAGGTAGTCTTGCAAGACATTCA

GCAGAACGATTAAGATGTCAACTATTGTTTTATAAAGGCTTCCATTTAAAGTAATGAGATTGAGAGAGTACTA  
CATTTTGTGTT

>trans\_c\_5246 AL161518|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 30

ATTTCCATTGTGCCCTAGCTTTAGCTTTTTGATTGAGCTCTCCATTTTCATCTCCCAATTCCTCTTTCAAATCACTAA  
AATCTTCTCCAAAATTCCCAATTCAATTCTTCAACCGGCAATCTTAATCCCGTCAGAAAAGCTTTGTTTCAGATCG  
GATGGAAAACACCGACAACAATGCCCTCAGTATCCTTTCACGGGAGAAGCTCGACCAGGTCGCCGCTGGGT  
TGCGGCTACCATGTCTTCCGCTTTTTTCTCCTCCTAGAACGATTCTCCTGTGTCAACGTTGCCACCAATGACCTT  
GACGACGACGACGACGACGACGACCTTCTTGTCCACTCAACCGCTCTCCGATCAAATTTACCTCCTGACCA  
ACATGACGGGTTTGTGATCTTCTGTGTGATCAATCATCCTAATTTATAGATCTAATGTGCATTTCTTTCTTTA  
TTAATTATGTATTTGTCTTTCTTTTTTATTCTGAATCTTCTTTTTTCCGTTATTGTTGGTGTGTTTTGAATTTTTC  
CTTGATGTGTTTATGATGATACAATGGTAATGTGATAGCCTTCTATGCTGCCCTAACGACGGGTATTTTCGAT  
TTTGATTTTGATTTGTAATCATAATCGATGTTGATTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5247 DQ988169|Brassica napus photosystem I P700 apoprotein A2-like (psaB) gene,  
complete sequence; and photosystem I P700 apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

CTCATAATAAATTA AAAAGTTGCTCCTGCTACTCAGCCTAGAGCCTTGAGCATTGTCCAAGGACGTGCTGTAG  
GAGTAACCCATTACCTTCTGGGTGGAATTGCCACAACATGGGCGTTCTTCTTAGCAAGAATTATTGCAGTCGG  
ATAATGGCTAGGAGGATTTGAAAGGCATTATGGCACTAAGATTTCCAAGGTTTAGCCAAGGCTTAGCTCAGG  
ACCCCACTACTCGTCGTATTTGGTTTGGTATTGCTACCGCGCATGACTTCGAAAGTCATGATGATTAATCTGAA  
GAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCATTTCTGGGCAATTAGCAATAATTTTTCTGTGGACTTCCGGAAAT  
CTCTTTCATGTAGCTTGGCAAGGAAATTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTACATGTAAGACCTATTGCTCA  
TGCACGGGTGGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTTACTCGAGGTGGTGTCTTGGCCAGTG  
AATATCGCTTATTCTGGTGTGTTATCAGTGGTGGTATACAATCGGTTTACGCATCGGCAAAAGCTCCCGCGTCAA  
GATCTCCCCCTCGAAACCGACACAGGTGGGTAGGTAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACCTCTCTCTAAG  
GAACTCGGCAGGG

>trans\_c\_5248 BT009721|Arabidopsis thaliana At5g67620 gene, complete cds

AAAAGTTCAGAAAAATATAAAATAAAATCTGAAATCTTTTTCTTCTTCTCCTCTGTCTCTGATTCTGTTT  
CGTATTATATTTCTTCTTCTTATTGTTTTGTTGGTGTCTTTAATCGTTTAAGTGTGTGATCTGGAAAACGTCACG  
TCCTTTTGTTTCAGAAATTGAGATTCTTGACGTGCATCGTGTAGAGAGCAATCAAAGAAAGGCGTCAGACTCATTT  
ACTCGTGTGTATAGTCTCTGATTAGTTTATTTATATATATATATATATAGCTTAAAATTAGCCTCTACTTCAA  
AACAATTAAGCCACACTTCGCCAACGCACGCGACCCACACGCGCACTTAGAATTCTTGAGTTGAGAGATTTG  
GTTTAGCGATAGGGGGGGCTAATGGGGAAGTGTGAGGCGGCGAGGCGGCGACGGTGGTGATTCAACACCC  
CGGTAATCAAAGATCGAGAGGATTTATTGGTCTGTAAGTGCACACGAGATCATGAACTCTAACCTGGTCAT  
TACGTTGCTCTCCTTATCACTTCCTCTACTTTGAAGTCCGAAAATGGAAGTCCCATCAAACAGCTCAAGCTCCTC  
CGCCCTGACGACACGCTTCTCATCGGACACGTCTATCGCCTTATCACTTTCGAAGATGTACTGAAGGAGTTTGC  
TGCAA

>trans\_c\_5249 BT003694|Arabidopsis thaliana At5g52960 mRNA, complete cds

ATAGTATAGATTGATAGGGATAATGTCCATCACTTTTGCTTTTCATTCTCTCTGTAACAATGTTTTCCCATCCCCC  
ACTTCAAATCATCTCGAAATTTTCATCGATTTGGCGTCCAATTTCCACTAAACTCCCACAATTAAGCAACCCCATC  
TCTCAACCCTTGAGGAAAACCTTCACCATGTTTCTTCCAAGTCGTCCGAAGCAGAGGAGCTCTTCTCTCTGA  
GGACGAGTGGCTTAACAAGCTACCAGAAAAGAAGAAGCCCTTGATTCTCACAGTTTGCTTGCGTTGAGGCT



TGGTTGAAGAACTTAGGATTTTACCAAAGTAAAGAGGACCGAGCTATGTGGCTGATCGAGAAGCCTGAATGG  
CACGCTCAGCTCTCACTCGATGTCACTGACCTCTATATAAGATATCTCAAGAGTGGACCAGGAAATCTTGAGA  
AAGATGTAGAGAGGAGATTTAGCTATGCACTAAGCAGGGAAGATATTGAGAATGCTGTACTTGGAGGACCGT  
GAACACCATTTATCATTACTCACTGTATTTAATCATTCTTTCTGTCAATAAATATAACATTATTTCTTGATCTAT  
TCTTTTCCAATCCACAATTGCTAGGAATGAAATCCACTTTTTGCTCACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5250 NM\_179022|Arabidopsis thaliana electron carrier/ protein disulfide oxidoreductase  
(AT4G10000) mRNA, complete cds

AGTGCATAAAAGAGTACGCCATTTGAGGTTTGAAGCGAAGCAGGAGAGGTTTCAGTTTGAAGGCTAACCAAC  
TAGAATGACATCGTTCTATTTTCGTACACCATATCATTCTCTGCACTGCTCTTCGGTCTTCATTCTGAACAG  
AGCTTCAACCAAGCAGCCACTTCCGTTCTTTCAATCGGAATCTTCCCGAATTCTGCAAAGAAATTTAAAATC  
TCTTCACGCAGGCGCAGGTTTCGTGCCGACTCTGTTTCGCTCATGCGCTGAAACTGAAGAATCTCGAACTCAGA  
TTTCGCCTGAAAGTTATGAAGTTCGAGTAATGGAAGCACGCCTTCTACAAGTTTTCTATCTTATCTCTGCCCT  
TGCTCAAGCTTTTCGCTGGAGGAGATCCTTCGAGAGAGAGGAATTTTACTTTGGAGGCAATGATTTAACCTTC  
TTTGTTCATTCAACTAGCTCTTTGGATTGTTTGTTCGCTCAATGCGTTTTTTTACTTTTGTGTTTCGTACAGTA  
TTTTTACAGTCATTGTTGATATACGGTTTTTTATAGTTAGTTCTACAACATGCAACTTATTTCCGGAACATATTTT  
GCAAACTGTCTATTTTATAATTGCATCGAAATGATAGACTGATATTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_5251 NM\_001160807|Arabidopsis thaliana binding (AT4G30990) mRNA, complete cds

ATACAGATGAAAGCTGTTTTCAATGTCTTTCGGAATATATCATCACAAATCAGTGTAGAAGATTGTGAACGATA  
TGTTTTCGAAATCTTGTTGCCTTTATATAGAGTCCGTGAAGGATTTTCTGGAAAAGTGATCCCAGAATCAATGG  
TACAGTTGGCCCAAGAAGTGTGTGACAAAATACAGAATTGTTTGGGGATTGAGAAATTTGTACAGGTGTACA  
GCCAGATCAAGAAGAGTCTGAAGACCAAAAGGGACAAGAGGAAGCAAGAAGAGAAGCGGATGGCTGTCAT  
TAATCCTATGCGAAATGCGAAAAGGAACTACGAATTGCGGAAAAGCAACGTGCCAGCAAGAGAAGGAAGA  
TAACAACAATGAGAATGTCAAGAAGAATGTTGTAGCCTGAAGATTAGTTGAGATGATATTAGATGAGCTAAT  
ATATTTGTTGTTAATCCTGGCGTCAGAAAGATGCTGACTTCACAATTTTGTATTCTTCTATAGTATATATCTTTAT  
TTACTGTGTATATTATTCAATTTTATCTAATTATAATTATAGTAGGAATACAAGTTCTTCATGTAGCTTCCTTGTA  
ATAGTTATTCATGCAGCTTATCTGATTATAATTATAATAGGAATACAAGCTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5252 Novel Gene

TGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAACGCGAAGAACCTTACCTACTCTTGACATCCAGAGAACTTAGCAGAG  
ATGCTTTGGGTAAGGATGGTAATTTATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTCTGAGATGTTTG  
GTCAAGTCCCACAACGAGCGAAACCTCGTTTTGTGTTGCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGCAA  
CCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCGACTAATTGAGTGCCACGTGCATCTGATGCTGTCA  
GTCAGAAGGGAGCCTTATCCTTTCGAAGGAAGCACTTTCGAGTGTGCGCTCTATAGCGCGCTTTACTAAATCG  
GCATTACGGCGAGCCACCCGGTGGTGTGGTACGAAGTGGGTTTAGTACGCCCTGCCAAAACGGGTCTCACT  
ATAGTGAAAGGTGCGTGCCGCACTCACGAGGGACTGCCAGTGAGATACTGGAGGAAGGTGGGGATGACGTC  
AAGTCCGCATGGCCCTTATGGGCTGGGCCACACACGTGCTACAATGGCAATGACAATGGGAAGCAAGGCTGT  
AAGGCGGAGCGAATCCGGAAGATTGCCTCAGTTCGGATTGTTCTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATA  
CCTAGGCACCCAGAGACTCT

>trans\_c\_5253 DQ422858|*Elaeis guineensis* palmitoyl-ACP thioesterase (PATE) gene, complete cds

CTTCAAAGAGCCTTAAATGCACTGAGAAGAAAAAGGCAAAATTTCAAGTAGCTGGATTCATGAAAGCCCCA  
ACTTTAATGCGCCACCAAATTCCTCAGAGATGGCAATAAAAAGAAAAGGAAAACAGAGACACCGCCGAATTC  
AAAGACGGCGAGAAACCTCGAAAGCAGCACTAACGAACCGAATAGAAAATTTTGATCAGAGAGTTGAATTCA  
TGAGTTATAAAGGAGAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAACCCACTTTTTTCCCCCTTTCTTTGTAT  
CTGAGCTTGAAATACACAAAAATACTTGTTGCTGTGTATATATATAAACAGAATGGGAAGAAAGAAAAGA  
GTTGAAAAAAAAGAGTTTTAGAGAGAAAGCGATAGAAGTGAGAGAAATAGAAAGGAAAGTGAGAGAGACG  
AAACACCCAATTCGCTTGTAACCACTTGATGATTCGATTCTTTCTTTTGATTAGGTGAAAGTGAATTTGGTAA  
ACAAAAGTGATCTAGACGTTGTTCTGATCGATAAGGTCTCAACCTAACAAAGGACCTCTCCTTTTATAGCCCA  
AAATTTTTTAAGTTGCTTCGAATTATAACCTTCTCCCTATAGCTTTAATATATCAATTTACAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5254 AF499717|*Thellungiella halophila* light regulated protein-like protein mRNA,  
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAGAATATCGAGTATTGATCAGCATTGAAGAACTTTGTAGTCAATTA  
ATCATTTACAGGCATAAGAGAGCAAAGGAGAAAAGAAAATTAACAACTGAAAGTTGACTCTAGGCTC  
AACCTTGTTTATATGTACTAATTCCAATAAGATTTTTTTTTCTAGTAACTCCTTTTGTACTCTGGATCACA  
GAACTCACCAACCAATCATCACAAGCCTCCGCCGAAAGACTGTCTGGGACTGTCATATTGTAGATACTCTC  
TCTCAACTGGCTCTGTAACACTACCTTTGGGGTGGCCTCTGGTTTTAGTTTTACTTCAGGATACATTTCCACAT  
CACAAGCTTCACCTCCTACAGTGTCAAGCCTGCTGGAAAAACAGAGGACATGGAGCTGTAGTCAACAGT  
TGAAGGTTCTTGTCTACTGCACTTGCTTTGCTTTAGGGTGCCTTTGCTTTGCCTTGGCAGGGACCTAGTTTG  
GATTGAGAAGGCCATTAATTTGGCTGTTGGTGGGAGGAGGGAGCATGATGGAGGTGCTATGGAAAGAGCTG  
CCTGCAACTGCATGATGAACAATGGTTCGGTTCGGTCTGCCACGAAGTTGGTGCTTGGATGTATCTTTAGAGT  
CGAAT

>trans\_c\_5255 X96727|*N.tabacum* mRNA for NAD-dependent isocitrate dehydrogenase

GACATTATTAGTGATCTCTGTGCTGGTCTGATTGGAGGATTAGGATTAACACCAAGCTGTAATATTGGTGAGG  
GAGGTATTGCTCTTGCTGAGGCTGTGCATGGTTCAGCACCGGATATTGCTGGAAAGAACATGGCAAATCCAAC  
TGCTTTGCTTTTGAGCGCTGTCAATGCTTCGGCATTAGAGCTTCAGGACAAAGCAGATCGAATCCAAGAT  
GCCATCCTCAACACCATTGCAGAAGGGAAGTATCGAACAGCCGATCTTGGTGGTTCATCATCACTACTGAGT  
TCACCGATGCAATCTGTGACCATCTTTGAGGAATGGTGTACATTGTTACATTACATTGCGGTATTGTCTCTGA  
GGAACTTTTCTGGAGGCTTTCCTTGATATCTTTTCATAGTTTCTCTGAAGAGTAATAAGTTCAGATCATATTGAT  
GACTCTGAAGTAGCTTATCCCAAGGGTGCTACTATTTTTTAACCATTTGATCCTTTGCTAGCCATACCAAAGGA  
AAACTAAAATGGCCCTGTTTCATGTAATCAGCCGTGCAATGTCAGATGATTGAGATCTGTTAAATTTATTTCTA  
CGAAAACATGGCTTTTCTTTTTCTTTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
T

>trans\_c\_5256 GU270834|*Vitis vinifera* cultivar Cabernet Sauvignon WRKY transcription factor 4  
mRNA, complete cds

TATGAAGGTGAACACAATCATCCACACCCATCTCAGATTGAGGCCACTTCCGGTGGTGCCACAGCCCGTAGTG  
TTAACATAGCTCCGGCGGTGGTTACGGCAGCGCCGGGATCCTCGTCGGCGCAGGCCGTTCCCTCGACTTGGT  
GAAGGCGAAACCGATTATGGAAGCTAAAACGATCGCCAACCAAGATTTGACTCACCAGAAGTGAACAGTTT  
CTCGTCAAACAGATGGCCTCTTCATTAACGAAAGATCCCAATTTACGGCGGCGCTTGCGGCAGCGATTTCGG

>trans\_c\_5257 NM\_115790|Arabidopsis thaliana TXR1 (THAXTOMIN A RESISTANT 1) (TXR1) mRNA,  
complete cds

>trans\_c\_5258 XM\_002313833|Populus trichocarpa stress-enhanced protein 1 (Lil4\_2), mRNA

>trans\_c\_5259 NM\_001125639|Arabidopsis thaliana OST1 (OPEN STOMATA 1); calcium-dependent protein serine/threonine kinase/ kinase/ protein kinase (OST1) mRNA, complete cds

ATGTCATGTTGGTTGGTGCATACCCCTTCGAGGACCTGAGGACCCAAAAAACTTTCGAAAAACAATTCAGAG  
AATCCTAAATGTACAATACTCAATTCCCGATTATGTACTTATCTCTCCTGAGTGCCGCCATCTGATCTCTAGGAT  
TTTTGTTGCCGACCAACTAAGAGGATTACAATTCCGGAGATAAGGAATCATGAGTGGTTTCTGAAGAATCTT  
CCAGCCGACCTTGTAGACGAAAACACAATGAACAGCCAATACGAAGAGCCTGATCAACCAATGCAAACCACT  
GAAGAGATTATGCAGATAATAGCTGAAGCTGGCCTTCCAGCTGCAGGAACACAGAGTCTCAACCAATACCTTA  
CCGGCAGCCTTGATATCGATGACGAAATGGAAGACGATGAAGAGAGCGATGCTGATCTTGATCTCGATATCG  
ACAGCAGTGGAGAAGTTGTCTATGCGATGTAATTGTTAATAGGATTGAAAAGGACAACTAAAAACACACATT  
GTAGCATACACTTGGACGATGAAGGCTGGAGAGATCTTGAGACCATAGGATAGAGGTTTATCAATAGAATTG  
TGATCCATGAACCGAGTCAGTGAATCCATCTGTTCTATATATATATTAGCTTTTCTTTGGTTGGGGTTTTAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5260 AF190894|Lycopersicon esculentum PSTVd RNA-binding protein Virp1d mRNA, complete cds

CTCAGAAGTCAGGATCAACCAAAATCCTCGAACCTAGCGCTGCACCGTGTCTTCTTTTCGTTTTTTTTCCCTC  
CTTCGATCTTTTTCTTTTTCTTTTTGTGCGGCGGCGCGAGAGGTTCTTTGGGGCGCGTTGGAAACTCGTTC  
CGGGAGATTCATGTGTAATCCTTCAACCACATTGGGAAATACTCGACGGATCCCTGTCGGTATCCTACTGCAA  
ACTTCGGATTCCGTACGGGAATGGCTTCCGCCGTCTTAGCTAACCGAAACGAAGCCAATTGGCCGCAGCCGAG  
AGGTAACGGTTCGCGGTACGGAAGAAGGATTCATGGGTAAAGTTCCTTTTTCAAACCTAACCTAAATTTAAC  
AAGAAACAGTTCAGGGCGAGATGAATGGTTTTCAGATGGATGATTCTCCGGCTGTGACTCAATCAGCATCAG  
ATGATGCCTCGTCGATCAATCATCATCGCAGATTGTCCAACGGCGTCGATTTAGTCAATACGTGAGCTTTAAC  
GTTTCATCGTGTTCAAGAAAGGAGCTGATCGAGCTGAAAACAAGGTTAATCTCCGAGCTAGAACAGATACGG  
CAATTGAAAAGTGAATCAATTCGGGTGAACTGCATTCCAGACCAAAACAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_5261 EF502022|Ammopiptanthus mongolicus EBP1 gene, promoter region and complete cds

ATCAAATTCACCGTTTTGTTGATGCCTAATGGATCCGACCGAGTCACATCTCATCCTCTGCAAGATCTGCAGCC  
TACAAAAACAATAGACGATCCTGAAATCAAGGCATGGTTAGCATTGGGCATTAAGACAAAGAAAAAGGGTGG  
TGGAAGAAGAAGAAAGGTAAGAAAGGAGATAAGACAGAGGACCCTGCGGATGCTGAGCCCATGGATACC  
ACGGCCAATGGTGCGGCATCCCAAGAATGAACATCTACACAACCACATCCTTGAAAAAAGAAAAAGAAAA  
AAAAAGAAATTAGTAATCCCTCGCCTTTTTCTTCAAATTTGGGTCTGCCCCACCGTTGATCTCATTTGTAT  
ACGATGAGCAGGTGAGTGTAGTTGCCAAATTAATGGTGAACGTTCTTTATTGGGTATTATTAATGAATCCA  
ACCTCTTTGTATGGTTCGACATACTTTGCTTTTTTTTTTCTCTTTCTTTTTTTTTTCAATTCAACTCCATGGA  
TGCGTTGATTGTCTCTCGAGATGTGCAACTGAATGAGCCTAAATTTATTTCTTTACTAATCTTTTCACTTCNAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_5262 NM\_001073456|Oryza sativa Japonica Group Os12g0533500 (Os12g0533500) mRNA, partial cds

GTGGCATTGTGCAGGAAAAGAGGTACCAGCTCAAATGAAGAGATTCATGATTGTGATAGCACTCTGATAAAT  
GGATCTCCATTCCGTAATTCCAATGGTCTTGCTGTTTGGATGAGAATTTGAATATTGTGTAAAGATAATCAG  
ATGGCTAGAATGTGAAGGATATATAAGCAAGAATTCAGATTGAAATTGTTAACATGGTATAGCTTGAGATCA  
ACTGAGCGCGAACGACGGGTAGTTAACTCCTTTATTCAAATCTCATTGATGATCCTAGCAGCCTGGCCGGAC  
AGTTGTTTGATTCAATTTCTGATATTATTTCTGCAAGAGGCTGCGAAGCTTATAATGCCAACAAGTTCTATAGT  
GACGAATGGAATAAGGGCAGCTCGGTTTCTAACGTAGAAGATTGCTGTTGGCCATATTGTAAAAGTTTCTCAA  
TTTACATTGACCTCCTATTGTTTGCCATTCTTGTGCAGCTATTTTATCCCTGGTCACTGTCTAAGTGATGATGAT  
GGCCTTATGCCATAGTAATATTCTCCGATTGCATCGAATCGGCAATTGTAAGAAGCGATTTGCAATTGGAGGC  
AATGCTTGAGGCTCATTGTTATCTCTCAAAGACTCCAATGCATTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5263 NR\_022067|Arabidopsis thaliana (AT1G11185) otherRNA

ATTACTTAACAATCTTCTTCTTCTTCTTCTCTCACTTAATCAGAAGCTTAGATAGATGGCGGGTACAAGGA  
TCAACGCAATCAACGGAGGAAATTTGTCGAGGAAATATCCGACCGTCTGATTCCAAAACGGGGTCAAGTGA  
AATTGGCAATCATAGTGGGTATTGCTCACTCAGTGACTTCGATATTCTCCAACGGCAGCCGGAAATGACTGTG

GCGGCCGAGGAAGGGAACGAGTTAATCGGGACCGTTGAGTTGGTTTTTTGAAAAATCGACGGTCCTGATTTT  
CCGAGTGTGAGCGGTTCAAATTTTATCGAACGTCACAGATTAGACCCTGAGAGATCTTCCGAATTGTTAATTG  
AAAGAAGAGGAAGAACCCGACATGGCCTTTTTTCCATGGCGTCAATCAATTTGTGTGTGTAATTTTTTTTTTTT  
TTATCTTTATTGTTTTCAAGTAGTTGTTCAATTTATGGTGCGAGTGTGTCTGTAAATTAGCAAAAGTGCTTAATT  
TACTGTTAAATAATAATAATAATGAAGTAATGTAAATGAAGTGTGAGGGAATATGGAACCTCTCGTTTTTGT  
TATTTGGTTATTGAATTGAAGGGTTAAATGAAAGATTTGATTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5264 Novel Gene

AAGGAAAAATATCGGAGTGGAGCCCAACTGAGCGGTCTCTCCATTCTTCCATCTCCATTTCATCAACTCCGT  
TCTCCAAACTTCCAGACCGCTTTCTCTCTCCAAATCAATCCCAAACCCCAAATTTTACCCTCTTCAACCT  
AGAACTCCCTAATTTGTTCTCAAACCTCCCTTCTCCCTTAAACCATGCTCCAATCTTCTTACCGTCGCTTTCT  
CCGCGGTTCCCTTGACTCTCTACGTTCTCCACTCCGTAGCTTCAATCTCTTCGTCGAGACCATGGAGGAGATA  
CTTCGCGAGTCTAGAACATACACCAATCGAGTCTATCCCGAGCTCGCCATGTTTGGTTGAGGGTTTTGGATTG  
TATTCTTTGCAGCACCAGGTAGATTTTTTTCTTCTTTTCTTTTCAAGATTTCCAACCCAGGACTCTCATCTCTC  
TGTATATATTCTTTATTTTCTCTCTCCTTGTTTCATAAGATTTAATGAGTGTGGTTGTGGTGCTGACTGCTC  
ATACTGTTCTTGCGGGATTCCGTTGTAAATTGCTTATCGTAAATGTAAGAGGAGGATGTGCTTCTGTAACT  
TTTAGAAAAATAAAATAAAATGAAGAGATGATGTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5265 Novel Gene

ATATTATATTCTCATCTCTATCTAACAAAAACCCCTAAAAATGGCTGCCATCAAATCCCTACTTTTCATATCTCTT  
CTCGCCCTTCTCTTCTTCTCCGAATCCCTATCCACTTCTGCCGCCGATTGCCGCGGCGCTTCCAATTCTGTTACAG  
GAATGCTCCGCCGTAACGTCCTTCAGACGGCGACTCATGAAATTGCAGATTCGGAAGGGAAGATGAATGTTCTC  
ATATCAAAAGAGGTGGGGGGGGGCGGATTTCGACCTGTAGCGGCTGGCACTGGATTAAGTGGCAACCGTAAA  
TCAGCGGCGAGTCGGAGCCAAGTCGCTTCTTTGGCCTTGATTCTCTCTTCTTCTCACGATTGTTCTTGTA  
ATTCTGATTGATTTTATTGGTTTCTATAAAAACTGAGATTTGTTTCGGATTTTATTAATTCATTCCGTTCTTTTT  
GTTTGATGATAAAAGAATGATATGTTTGTGTCACTGTGTTATGTGTTTATGTCACATCTAGCCAAATGAGCTAA  
AGGCGACGAGATTGCATTTCCGACTATTGTAATCGATTGTATCGTATACTTATGTCAGGTTATATTGTTTAGTT  
GTTATTATATAAATGATACATTTAATTTAAATTTGATCGAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5266 XM\_002881606|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATEXO70H2, mRNA

AGAGCCATGAAACGAAGGTGAGGCAGTACGCTTCGAGTTACCAACGGATGGGATGGAGTAGAGTGTTCTTAT  
CGTTGCCGGAGAATCCAATGGCGGAAATCTACCGGAAAGAGCAAGAAAACACTTCCATGATTTCAATATAGC  
GTTTGAAGAAGCGTACAGACATCAAGTATCGTGGGTCGTGACGGATTGGAAGCTTAGAGAGCATATCAAGAT  
CTCATTGGGGAAGAACTGGGTACGCTTTACGGTGAGTTCTATATCAATAACCGGTCGCGATTGGAGAATCTT  
TACGGAAGTGAATCGGAGGTAAGATTTGCACCGGATGATTTAGGGAATTACTTGTCGGATTTGCTTCACGGCG  
ATGGGAACTCGGGAGGGAGTGTTCCTCGTCGTCGTCGTTGTCGTCGTCGCCGTACCATTTTCACGGTGGGCG  
GCGGAGTGGATGAGGACGGCGAAAAAGTCAAATTTTAAAAAGCGATGTGTGAGGATATAATTTTAGTGAC  
GTGTACAAATCAAATTGATTATGTTTTGTTTCTTTTTCTTTTTGATTCATTGATTGATTATTTTGTATTGTAA  
TTTTGTATCCATATTGGTGGGGACATTATGTATGAGAAACCTTTTGTACCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5267 Z72489|P.sativum mRNA for CP12

ACTTAATTCTGATCTATTTTATCCAATCCACCGCTCCATTCTCCGATCAAGAAACAAAAAAGAAAAAGAAAAT  
GGCAGCGATCACCGGTTCTTCTATGGCGGCTACAAAAGCAGTGACTGACTCACCGAAAATCGAATCGCCGGT  
ACACCGATCCTCCCGGCTTAGCTACACATGGAAGCGGTGGACCTCCGGTCGGATGAGCGCAGTTGGACCGGT  
GGCAGCCGCACCGACCGGATATCGGAGAAGGTGGTGGAGAGCATAAAGAACGCGGAGGTGACGTGCTCG  
GAAGATCCGTCAAGCGGCGAGTGTGCGGCGGCGTGGGATGAAGTGGAGGAGCTAAGCGCCGCCGCCAGCC  
ACGCACGTGACCGGCTCAAGGATGCGGACCCGCTTGAGGATTTTTGTAAGGATAATCCCGAGACGGAGGAGT  
GTCGCACGTATGAGAACTGAGTAATTTGATTTTATTTGCAACTTTTTCTTTTTCTTTTTGGGTTTATTTCTTT  
TGGTTAAGGTAGAAAGGTTATTTGGGTGCGTTTTGTTTTCTTTCAAGTTAGGAAGGTTGGGTGTGTTGTAT  
GTGAAATAAAAATTACTATAAAATATTTTAGTTTCCGTTATTATTATTTTTTTCTTCATAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5268 Novel Gene

GGCTAGTAGCCATTCTTTCTTCCCCTTGATTTTTTTCCCTTGAAAACCTTTTCTTCTCCTTGTAGGCTAAAAG  
TAACTAGTGATTCTTGTTAATGAAATGTTGATATGTTTATGGTTTATTTGTATTTTGTCCAAACAAAGATT  
GAATAATATCATGCAGAGTTCTTGTGTTTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCCCCCAAAAAATTAAATAAACCCCCC  
CCCCAGGGGGGGGGGGCCCCCCCCCTCCCCCAAAGGGGAGGAAAATGCCCCCCCCCGGCGCCCTTTTT  
AAAAACCGGGGGGGGGGAAAAAACCCGGCTTTCCCCCATAATATCCCTTGGAACCCCCCTTTTACGCG  
GGGGGAAAAAAAAAAAAAGCCCCCCCCCACCCTCCCAAAGTTGACCCACCCGAAGAGGAAGAGGAGC  
CCCCCTGACACCCCAAAAAACCGGGGGGGGGGGGGGGGATTACCAAGGGTCACCATCAAATGGAGAC  
GACCCCCACCCC

>trans\_c\_5269 Novel Gene

GGCTTCCATCGCCTCCGATCACTTGGTTCAGCTCCTTACGAGAAGGCAATGGCTCCGAAGCAGCCGAATACCG  
GTCTCTTTGTGGGACTTAACAAAGGACACATAGTTACAAAGAAAGAGTTGGCTCCCCGCCCTCAGATCGTAA  
AGGAAAAAGTAGCAAAAGAGTTCTTGTGAGGAGTTGATTCTGTAAGTTGCTGGCTTTGCCCCATACGAG  
AAGAGAATCACTGAGCTTCTTAAAGTTGGAAAGGACAAGAGAGCACTTAAAGTGGCCAAGAGAAAGTTGGG  
AACTCACAAGAGAGCCAAGAAGAAGAGAGAAGAGATGTCCAGTGTACTCCGAAGATGAGAGCTGGTGGAG  
GTGCCGAGAAGAAGAAATGAACTAGTGTGTTAATTATGGAGCTTCGAATTCATAATGTTGAGGACATG  
TTCTAGATTTTGTATTTTTTGTATCCAGAATGATATTCAGTGGATTTTTGAACATTACGTTAGATGTATTGTG  
ATGCCATTAGAACTTAAATTTAAATTTCTACAAGTCTTTTTCTTTAATAGAGCCTTGCGGGTCATTTGTATCTC  
TTTGATATATTTGCCATGATCTGGAAAGAAATGCATCATTTAATTCGCCTCTGACAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_5270 AM062702|Alnus glutinosa mRNA for alcohol dehydrogenase (adh1 gene)

CCTTCAAATCCCTTACCATAACCCACAACCTATGTCCACTGCCGGTCAGGTCATCAAATGCAAAGCTGCTGTG  
GCTTGGGAGGCCGGAAGCCACTTGTCATTGAAGAAGTTGAAGTGGCACCACCGCAAGCTAATGAAGTCCGA  
TTGAAGATCCTTTTACGTCTCTGTGCATACCGATGTTTATTTCTGGGAAGCCAAGGGACAAACCCATTGTT  
CCTCGTATTTTTGGACATGAGGCTGGAGGAATTGTTGAGAGTGTGGAGAAGGAGTGAAAGATCTTCAACCA  
GGAGATCATGTTCTTCTATTTTCACTGGTGAATGTGGGGATTGTAGTCATTGTCAATCTGAAGAAAGCAATAT  
GTGTGATCTTCTCGAATCAATACCGATCGTGGAGTTATGATCAGTGATGGCAAACTAGATTCTCCAAAAAT  
GGACAACCCATTTCATTTTTGTTGGAACCTCCACTTTAGTGAATACACTGTTGTTTCATGTTGGTTGCTTGGCT  
AAGATCAACCCTGCTGCCCTCTTGACAAAGTTGTGTTCTTAGCTGCGGCATTTCCACAGGCCTTGGTGCCAC

TTTGAATGTTGCAAAGCCTAAAAAGGGTCAATCTGTTGCGATCTTCGGACTTGGAGCTGTTGGACTTGCTGCT  
GCTGA

>trans\_c\_5271 BT004680|Arabidopsis thaliana At4g39300 gene, complete cds

GTGTGTCAAAGAAATGGCTTCCGTTTCCCGATCGCTTCTTACGGCGGCGGCGGCTTCCAGGTCCATGGCCGGC  
CGTACCAGACCACTTGCTCATAAAACCTAAATCCATTGCTTGTCTTCTTCTCCTCCAGAAGCTTTCCTTCCATTA  
CCAGGATTGTTTCGTCTTTGGCTAATGTGGAGTCTTTGATGCCACTCCACACCGCCGTCGCTTCGGCTCGGCTG  
AAGTCCAAAATTGCCGTCGACTCTCATTGCTGGAGCTGGCTTTCTGAAGGATTGCAACATCTTTGTGACATAG  
CATGGTTGGTGAAGGTGAATTGTAATTGATAATACGGCTGAATGACTGGTAGCTGAAACGACCTTCCATTGGA  
CTTGTGAGGTTTTTCCATCTTTCCTACTTATCTTTGTAAGATACCTTTATCACAAGGAAGAATCATTTAGACAAC  
TATTTTTTCGTTTTTATCGTTGTATAATGCAATGCGGCCACATTTTCTGGATATGCAGAGAGCTATTGTTTTAAG  
CCTTTGAATACAAAGCTTGACAGTTTAGATTTTTGTTAGGCATCCCTCTTGCTCTTGACTTGTTCAATAACATGCA  
ATTGATTTCTTACNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_5272 AY104452|Zea mays PCO122208 mRNA sequence

TCGGAGAAATGGCGTCGGTGGTGCGGGGGATTCTGAAATCCATCAAAGACAAAGGGATCGGCACTTTCTGGA  
GAGAGCTCAAGGAAGAAGGCTACTTGAAATGCTTAGCCGATGGAAATCTATTGCAAACAAAGATCCACAACA  
TTGGTGCAGACTAGTGGGTGTTGATAAGTTTGGTAATAAATATTACCAGAGGGTTGATGAAGAGACTCAATA  
TGGTAGGCACAGGTGGGTGGAATATGCAGAGAAGGGTCGATATAATGCTTCTCAGGTGCCACCCGAATGGCA  
TGGCTGGCTCCACCACATAACTGATCATAACAGGAGACGAGCTTCTGATGCTGAAACCGAGCAGATATGGAATT  
GAACACAAGGAAAACCTTTTCTGGGGAAGGTGAAGAATTTATCTACCATTCCAAGGGACATGCTCTTAATCCCG  
GACAGAGAGATTGGACTCGATACCAATCATGGCAACCAACCAATCATAAGTAATTTGTCTTTCAACAATCCCT  
TTGTTCAATTTGGAAATCCTTGGGATATTGTTTTGTCTTTTTCTTTCTTCTGAATAAGCGACTTGTTGTCTATA  
CAAGCTGTGAATTATTTTTTATTATGTTTTACTGCACAACCGATAGAGGAATTTTCAGCATGGTACTGATTTTTT  
AGGTTTT

>trans\_c\_5273 NM\_115708|Arabidopsis thaliana ATRBL15 (ARABIDOPSIS RHOMBOID-LIKE PROTEIN  
15) (ATRBL15) mRNA, complete cds

AGTTTAACTTGCAAAGTAGGTTATTGGATAGGAGCTCTGCAGATCCTCAGTCCTCTGATGGAAGGCAAAACGA  
TAGCGCAGTAGTGGATCGGGCAACCCCAATGCAAACCAAGAGATCAGTTGCCCTGATGCAGAGATTCAAAA  
ATTAGTATCAATGGGTTTTGAAAAGACCCAAGTAGAAGTTGCGCTGGCAGCCGCTGACGGGGACATTAATAT  
AGCAGTTGAAATCCTTATGAGCCAAAAGGATTAGTTGAAAATAGCAACCAAGTAATTCAGCTTATGCCATAGA  
TTTTTAGTGGCTATGGGATTTTCTTCACTTATTTTTGGCTGTAGTTTTCATCTTGCAATTGTATATTCCTAGGAAC  
CCTTTTAGGCTTTTAGGAGATATGTGGTCAAATCATGAAAATGTGAATGCAACTTTATCAGTAGGGAAGGTTG  
ATTGAAATGTAATTAGCTAGTTAATACTGTTTTTAGGTTCTGCTTTGGCTGTCTTTTCTAGAAAGGATAATATGT  
CGAAGACATAGAAGAGTGTTTAGTGGATGTTTAGGATTGATTTTAAAATTGTAATGGCTAAAATCACTTGAAA  
TATGCCTTCAATCATAAAAAATTAAGTTAATTTTTAAAAAAAAAACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5274 Novel Gene

CCTAGTAATGATGATGATTAACACTTGAGACAGTTTGGTCATGGAAATTTACTGCAAGCTGAACTTTTGCATT  
TGCATTGGTTCTGAAACCCACATTGCTTCAGTTCGTTGGAACCTGCAAACATTAGAGGACTAACACAAATGGT  
TTGTCTTTAAATGGTGTGGTTTCATTAGTTGAAGTGTACTGTAATCTTTTTGTGGCTTGACAGTTGATCTTTTC

TCTTCATTTGTCATCTTCCTCTTTAACTTTTTTATCATAACTTGAGAGCTGTAATCTATATTCATTAATTGTAAGC  
TCTTTCTTTTATTGTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTTTCACCCCCCCCCCCCCCGGGGGGGG  
CCCCCCCCCCCCCCCCCAAAAGAAAAAAAAAAACCCCCCCCCCGCCGCTTTTTTTAAAACCCCGGGGGG  
GAAAAAAACCGGGGGTCCCCAAAATAATCCCTTTAAAAAAACCCCCCTTTCCCCAGGGGGGAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_5275 BT006570|Arabidopsis thaliana At1g02870 gene, complete cds

ACATACTAAAACCTAGCCACCAATTTCTTTTTCTCCTTCCAATTCCCAGAGATGGGAAGGTCTCGAAGAAAGT  
ACAACGAAATCTCGCCAAAAGATAAGGTTGGTTTGCCAAAAGAAACCCTAATGTCTTCAAGCCGTCTTTTCG  
CATACCGCCTAAGCTCCGCTCCTTGCTCGCCGAACAATTTGAAGAAGATCCAACATGGGATGAGAAAGGAAGT  
GTCATTCAAATTATAAATCCTTCGGTGTCATTTCTAATCCTAATTTGCTCAGTGTTGTTCCCGCACTGATCAC  
ATCGTTGAAAGCGACTCTCTCAAGTCCCGCCATCCGATGACCCTGACTCCGTTCTTGATTCTTCCGGTAGTGA  
TGTTGAAGAGGACGATTTGAAAACAGCGTTGGGAAAGAAAGCGCAAAGATGGGAAATCTGCACCTCTACAACC  
GTTGACCACACTTCAGCGTGTTTCATGTCGGTAAGCTAATCGAGAAATATGAAGATGATTACCAGAGGATGTTT  
ATGGATACAAAGCTGAACTCAATGCAGCATTCTGTTGCCACTCTGGAGAACTATGCAAAGATATCACAGTT  
GTTTAGATAAGAATCCCTTGATATTGACTCGTAAATGACGATAGCTCCTTCATCTTCAAATTGTTTTGTTACGA  
GAGG

>trans\_c\_5276 Z11151|Arabidopsis thaliana DNA for chloroplast ribosomal protein CS17

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCGAAAAAGAAAATATTATAAAATTCGGACAACCTGGGTCCAGTCTC  
ATCAATACAACATTCACGAGTCATTCATCAAACCACAAACAACATTCAGATCCACAAAATCAACCAATTACAAT  
CAAACCTGTTCTTGCTGAGACTCCAATGGAATCCAAGCTCTCCTCCCTCACCGCCTTCCGCCGCTTCTTCTTC  
GCAGTCCTCGCTGGAACCGGAATAGCCAGGAACGTCTTCATCTTACTAATCGGACGGCATTITTCAGCTCCAC  
AAAATCTCCAACCTTGAAGTGGTTATCCGGATCATGCGCCTGGTACTTCTTCTTGATTCTAATCCGACGCTTATA  
TTTCGAATGAGGCGCTAATCGGACTACCTCAACGGCGACGTTTTGTGTTGGTGGCACAACCACGCGGCCT  
TGCAGGGACCTCATGGCCCTAATGGAGGGAAGGAAATTGGGGGTTTGGGAGGCCAATGGCGACGGTGATGA  
AGAGGCCTTAGAGAGGAATGAGAGAGGAGTTGAGCCATGGAGGAAAGAGGAAGAAATTGAGAGCTTCTTCA  
AGCTTTGTAATGGAGGAATTTGAAGAAGGGATGAGGAAGTTAGAGTTGTAGACATTTTTTTTAGGGATTTTTG  
TGTT

>trans\_c\_5277 Novel Gene

TCTCTTCTGTAATGCTAATGGCTACCAATCTCTCTTTCTCCTCAATCCCTAATTCCAATTCAAAGCCTTCGC  
TCTTGCAACGCGTTCAACTCGGTCACTTCCTTCACCTCAACTCAGTGAGTCAGATTCAACTGCTCGTCTTCATT  
CCGGCTCTCAATCGCGGGTTTTGGTTCGAGCTGCTTGGATAGCGATTACTCGTCGAAGAGGAGCAGTAGCAA  
TGAGCAGAGGGAGACGATTATGTTGCCCGGTTGTGATTATAATCATTGGCTTATTGTCATGGAGTTCCCCAAA  
GATCCTGCTCCAACCAGGGAACAGATGATTGATACCTACCTCAACACTCTTGCTACTGTATTGGGAAGCATGG  
AAGAAGCCAAGAAAAACATGTATGCTTTCAGCACCACCACCTAAGTGGATTCCAATGCACAGTGTCCGAAGA  
AACATCCGAGAAATTCAAGGGATTACCCGGAGTTCTTTGGGTGTTGCCAGATTCTTATATAGATGTCAAGAAC  
AAAGATTATGGAGGTGACAAGTATATAATGGAGAGATAATTCCATCCAAATATCCAGTTTATGAACCAAAGA  
AACGAAGGGAAACAAAATAGGAAAGTAGGGGGTATGAAAGAAAAAGGGATGGCCCTCTCCCGAACAAACA  
AAGCCGA



>trans\_c\_5278 Novel Gene

ATACACACCATATACTCAGATCAAAGAAACAAGAAAAAATGTCTGTTGTCACTGAGGAAATCAAAGGCAAGA  
CAGAAGAAGTGTACCATGGAGATGAGATATGCCAAGAGAAATCAAAGAATTACTCAAAGAAATAGGGCTTC  
CAAATGGGCTTTTGCCATTGAAAGACATTGAAGAATGCGGGATTATAAGGGAAACAGGTTTTGTTTGTTGAA  
GCAGAAAAAAGCACACCCACAAGTTTGAGAAGATTGGGAAGCTTGTTCCTATGCTACTGAAGTCACAGCC  
ACTGTAGAGAAGAACAATAAAGAACTCACTGGAGTTAAGACCAAGAGCTTTTGCTTTGGGTTTCACTGA  
GTGATATCTATGTTGATGATCCACCCACTGGAAAAATCACCTTTCAAACACCAGCAGGCCTATTTAGGACTTTT  
CCAGTTTCAGCTTTTCAGGTTGAAGAGCCAGTAAAGGCAGCGAGTGAGAAGAAAGAACAAGTGGTGGGAAC  
TGTTGAAGTCAAGGAGATCTAGACAGTAAATCTATTCTAGCTATGCAGTTCTTCTGATTTTAAAGTTCTAAACC  
CTTTGTTTTGTGGTTTCTTGTCTTTTACTTTTTACATAATGGTACCAAGGTGAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_5279 XM\_002873869|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L33 family  
protein, mRNA

ATACCCCGTATTCTTCCATTCTTCCACAATTCCCTCCGTCTACCCTTGCCGCCGATCAGCTGCGCTGCCTTCAC  
GCCGTGCGCGCCGAAATGGGTGACAAGAAAAAGAAAGCTACCATGTTTCATCCGACTTGTATCAGCTGCAGG  
GACTGGATTCTTTTATGTTAAAAGAAAGCCAACCAAAATTACAGAGAAGCTCGAGTTCCGAAAATACGATCCT  
CGGGTCAATCGACATGTTTTGTTTACGGAAGCTAAAATGAAATGAAAGAAGAGAGGAATAAAAATCAATTAT  
CCTTTCAACCTGGATCTATTCTTCTTTTGGTCCATAGGTTTTGGAGCTTTGCAATTAGTCTTTTTTCTTCTCATT  
TAGACTGATGTCATATTTGCTAGTTTTTCCCATGACTCATCTTCAGCCTTGTGGAACAGTATTTTGTACATCA  
ACTTCTATGGCCACGAATTGTTGCCTCTTGATTTCTTGTGGTCAAATGTGTTGAGATAAATTATAAGATATAAC  
TTGAGTTACTAAGCTTGATGATTGCATCTTAGATTTGCGGGGATGTTTGGTGGCTCGTAATGTGATTGGATCTA  
ATGTAATAAATGCAAAATCCTTATTTGGATTAGTGTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5280 EU823285|Triticum aestivum cultivar Soissons glutaredoxin mRNA, complete cds

GTTTCTTCCTTGATCTGTGTTTCTCATTTCTTTCGGAGCTCTCATCATCATTAGGGTTTTCGAATCGAGAGAAA  
AAAAAAAAAATTAAATCGATCATGGCGTTGGAGAAGGCTAAAGAGATCGTGGCTTCTAATCCCGTCACCGTCT  
TCAGCAAGAGTTACTGCCATTCTGCGTCCAGGTGAAGAGATTGTTGACTAACTAGGAGTCAGTTTCAAGGC  
TATTGAATTGGATACTGAGAGTGATGGAAGGGAGGTACAAGCAGCACTTGCTCAGTTTACTGGGCAACGGAC  
CGTGCCCAATGTTTTCATAGGTGGGAAGCACATTGGTGGCTGTGATGATACGATGGCACTGAACAGCAGCGG  
AAGATTGGTTCCTCTGTTGGCTGAAGCAGGAGCAATTGCCAAAGTTGCTGCTTAGAGAAGGAGTGTGAGTAT  
GTTATTACTTAGGGTACATATAGATAAATAATAAACCTACCTTTCTACTTGTGCTTTTCTTGTCTGTTGTTGGC  
ATTTCTAATGAAAAAAAAAGTGTTCATAGTGGATTGTAGAAATAACTGGAAGGAATCTATGCTTCCTTGCAT  
CTAATGATATATTTTTGGGGTTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_5281 HQ335309|Malus x domestica vacuolar malate transmembrane transporter mRNA,  
complete cds

TCATAATCCCGAACAGGAAGCAAGAGGGAGAGAAATTAATGGACTGGAACAAATGCAAGAAGCTGCCATGG  
GGGATCATATTGCTACTAGGAGCAGGATTTGCCATAGCAGATGGGGTGAACAAGAGTGGGCTTGCGGACATA  
TTAGCCAACGCATTGAACTTTCTAGAGAAAGCTCCATACTTAGCAGTGGCCCCTGCAGTATGCCTTGTAAGCA  
GCCTCATCACAGAGCTTGTGACATCAAACAATGCCACCACGACGCTGGTGATCCCAATCCTCATCCAAATAGCC  
AGCATAATGCACCTCCACCCACTTTCCTTATGATCCCGGGTGCCGTTGGCGCACAGTTCGCATTCTTGTTGCC

CACTTCAACCCCTTCGAATGTGGTTGGGTTTCAGCACTGGCTATATTGACATTCCGGACATGATCAAGATTGGCT  
TGCCTTTGAAAATCGTTGGCATTGCTGCTGTCTCCCTTCTGATGCCCTCTCTCGGAAGCTTAGTTTTTGAGACAA  
ATAAGCCAATGCAGTGACTGCCAAATCTGAAGGTAAGTTGCTGTTGATTTTTGAGTTATTTACCCATGGAATCAG  
AAACCACCTTATATATATATATATATGTATATACATACATATATCCTTTTTTGTATTTCAGTTTAATAATTTT  
TT

>trans\_c\_5282 NM\_001071082|Oryza sativa Japonica Group Os10g0401000 (Os10g0401000)  
mRNA, complete cds

AACTAAGGAGCATTGAAAAATCACAGCCATGGCGGATATTGCAATTCTGTAGCAGAGGAATACGAGAGGAG  
GACCAAGCATCCAAGGCGAGATCAAGAGATGGTCAGGCAAGAGCTTCAAGATTTGGGTTCTGGGGTTTCCAT  
ATCTGCAACTGCTACTTCAATTACGATGAAGAAGATGATGGAAATGGCGAAAAGACATAATTACTCTGCCGAG  
ATATCGGAATTCAATCGGGTTTTTGAACCCAAATCTCAAATTGGCCGAGCTGCTTCCACTGGGTTCTTCTCAGC  
TTGAGTTCTCTGTTCTTGAAATTGGGTTTCATATATTGTAAATGTTTCTCATCTCTCCCTCTCTCTCCTCTCTCTC  
CCTCTCAAATCTGTACATGTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTTGGATTCCATTAGTTTTGAAATTA  
AATGCTTTTGAATTCGAGAGAAGAAAGGTGGGATTGTATTATGATTTGATGATTATTAACCATATGAATGTTG  
GGAAAAGAATGGGTGATTTGGTTTTCAAGAAATGATTGGGAGTTCGTCACAGGGGTGTGTTAATTTTTAGTT  
GTTCTTGAAACATAAAGCTTAATCTTAATGTTTATGCTTTGGGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_5283 AF049930|Petunia x hybrida PGPD14 (PGPD14) mRNA, complete cds

CACTTTACTTTTGTCTGAAATGTTTCATTTCTTTTTCTTTGTGTGATGAGAGTGGAATGCATAGAAATGAGTA  
CTTTTAGATGTACTCAAGTATTATTCATATAATATCACAGTAGAAATTAGAAAATGGTGTTCAAATGGCCATCA  
CTATGGAGTTTCTAAACCAAAAATAATCTTCAAACCGTGCATGTGGATTGAGGTTAACAACGATCGAGTATATC  
ATAAGCTTTTGATTCTGTAAAATCTTAGTACTTTGAACGAAACAGGTCTGGATTCTTTGCAACGATTGTGGTA  
CGACGTCGAAGGTGCAGTATCATGTTGTGGCTCAAAAGTGCTTGAATTGCAAGTCGTACAACACCAGACAGA  
CCAGAGGCTAAACAGATGTGCATATGAAGGCCATATTCTATCATCCTCCAGCTCTGAAATGCCTTTATCTCCAG  
CTACTTGAGCTCCCATTTTCATGCTGACCTTCGAGCCACACTAGTCATTCTTGAGCGGTGGGGAAGACGAAGA  
CGACGATGACGTAGTTCTGCAGCCTCCTTCAATGACATCGCATATTTTTATCTTCTTTATTTGGTTGATATCTTG  
TATTCTACCTTTCTCTCCATCATTCTATTTGTTTGGTTGGTGTCTGGATTGGTGTATTTGTGATTTTTCCC

>trans\_c\_5284 AY253299|Carica papaya alpha-galactosidase mRNA, complete cds

ATATGCTGATTACGCAAGACCCGGTGGCTGGAATGATCCTGACATGCTGGAGGTTGGTAATGGAGGGATGAC  
TAAAGATGAGTATATCGTTCACTTTAGTCTTTGGGCCATATCCAAGGCACCCCTTCTTCTTGGTTGTGATTTGAG  
GAATCTAACAAAAGAAACAAAGGAAATCATTACGAACACAGAAGTCATTGCAGTTAACCAAGATCCCCTGGG  
CGTCCAGGCCAAGAAAGTCAGAAAGTGAAGGTGATTTAGAGGTTTGGGCAGGGCCTCTTTCTGGCTACCGAGT  
AGCGGTTGTGTTGCTGAATCGAGGGCCATGGCGTAATGCAATCACCGCGCAATGGGATGACATTGGTATCCC  
TCCAAACAGTAATGTTGAAGCAAGAGATCTTTGGGAGCGTACTACTTTGAAAATACTTTTGTGGCAAATTTG  
ACAGCTACTGTGGATTCTCATGCCTGCAAATATATTTTGAAGCCAATTTCTTGATGTTAGAGATATTGAATT  
CCACATTTGGACATGGTTTGTCAAGGAAATAAGGTTTTTGTGAACATTTTGTCTGATTTATTTATGGAACATT  
TTTGTTGCTGCTTCAATTTCTTTTGAAGCTCTCCAAGTTTGAGGAAAATGAAATAAAATGTCTGCATTAATTAG  
GCTT

>trans\_c\_5285 AL161539|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 39

TTGAAATCAGTAAGAAACAACCTAGCTGATGTGGAGTCGCAGATGCACCTATTACACGAAGAATGTGATCAAT  
GGAAGAAGGAATATGAGAATGAAACAGACAAAGCTTTACATTCCCAGTTTGTGATCTTCATCTTACAGCATTG  
TATGCAAGATATGAAGGATAATAATCTCTCTTTATTTCAAGAGTGCCAAAACTTTTCGAGGCATCCGAGAGG  
TCGAAAGAAGCAATCTCTGAATTAGAGCTAAAAAATATTGAAAGGCATGGGGAGGTTAAATCCTTCATCGAG  
AAAAATAAATCTCTGAGGACAGGGCTTCAACAGGTAAGTCTGAGAACTCTTGACATCCATGCGTACCCTGAGTTCA  
ATCAAGAGACTGAGCCAGATCAAACACTTCTGAACCATATTTTTGTCAAAGTTCAGGAGAAACAGAATTCTAT  
AAGTGAATTTATGATGAATACTATCAGCTATTGATTGAGAAATCTATTACTGAAAAGTTCTTCTGCAACTGA  
AAAATGAAGCTGCAAACATGTTGATTGAAAGAGATGCACTTGATCAGGAGCACAAAATCCAATCAGAAGAGA  
TCTTGATTCTTCAGAGTAGAATTCTGCAGTTGAATGAAGAGTTGGGGTTAAAAGTAATTGAAGCCAACCAAAA  
AGAACAAGCT

>trans\_c\_5286 DQ023531|Gossypium hirsutum cultivar CIM707 Fb14 mRNA, complete cds

AACTTCCACTCGTCCTTAGCGGTTCTGAACCCACACCAACAAACACAACAAGACTCCGATTTCAGTGCTAACCTCG  
AGAGATTTCAGAAGTATGGCGTCAGGGTGGGGAATCGACGGAAGCAAGGGCCGATGCTACGATTTCTGGATT  
GATTTTAGCGATTGTATGTCCCGCTGCCGAGAACCAAGGACTGTTCTCTACTCCGTGAAGATTACCTCGAGTG  
CCTCCACCATAACCAAGGAGTTCCAAAGACGAAACCGTATTTATAAGGAGGAGCAGCGGAAACTAAGGGCAGC  
TGAACGGGAGGCCAAAGAGGGTAACATGTTGATACTGCTCATAGTCGTAATTATCATTTCAGAGATCG  
AATAATGAAGAATGCGTGGACATGCGTTGTTATTTTGAACACTTTTTTTTCTTTTGGCTTGTTAATGACATTCT  
ATTCTGTCTTTTCTGAATCCGGTATGAAATTCACAAGTCATGCAACTAGGCGAATTCGTATATTTTTTTCATTCT  
CCATCAGAAGGATAGCATTTTCTGCTTGAAGATGATGTTAACCATGTTATTGGCACTTAAAATCTTATTTCCAA  
GTTCTGGTTTAATCAATAAGGCTCTAAGCAGATTGCTATTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_5287 XM\_002330269|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP82C14P), mRNA

AACTTCGAGTGGGGTTTTTTTAAGGCTTGTCAATCCAAAACCTCTCTCCATGTCAAGCAGTTCTTCTGATGGTCT  
ATCAATTTCAAACCCATGAAGAAAAGTTTGAAAGTGTAAGATAGATTATTTGAAAGTGCAAATGAGATTGCAGGG  
CACATCCTTCGACCATTTCCAAACGGTATGAATTGGGGATGTTGTCCCTAACATCAAATTTCTTTTGACTCGTT  
AGAAATCTTTCAGGTCGAAATTCAAATGGATCCTGCCAAACAACCTGGGTCTTTTGAAGTTTTTGAACATTAAAC  
TATGAGGCGTGTCCCTTAGGGATGTGATACCCAGCAACTGTACAATCTTCTATAGATTTCATGCGGGACTAAA  
AGTGGTGAGCAGGATATAATCGTAGAGTTTCTTTAACGATAGCTTGGAGATATGGTAGGTTTTTTAAATCTG  
TTTCTTCACTTGTCTTTCTCTCCCACTTGTTCAATTCAACTGAGCCTTCTTGAGTTCTTCTTTATTGTTG  
AGAAGTAAACAAAGAGCCCATGTCATTGTGATTGTTGTTGTGTCAAATCCACCTAATATCATATTCTGCACTAA  
AATGAATCATACAGATTATTAATATCATAGCTAAATTTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5288 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AGCCTAAAAGATCTTTTGAAGCACATATTCGCCGGGGGGACGATTGGGGCGTGGACATAAAGGTCTTTAT  
GACACAATCAATAATTCGCTTCATTTTCAATTTAGGTCTTGCTTTAGCCTCTTAGGGGTTATTACTTCCTTGGTA  
GCTCAACACATGTACGCTTACCTGCTTATGCGTTCATAGCACAAAGACTTTACTACTCAAGCTGCGTTATATACC  
CATCACCAATACATAGCAGGATTCATTATGACAGGAGCTTTTGCTCATGGAGCTATATTTTTTATTAGAGATTA  
CAATCCAGAACAGAATGAGGATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTATCATATCCCATTTA  
ATGGTTTAACTAAGGTTTCTGGGGTTCCATACTTTGGGGCTTTATGTTTCATAATGATGTCATGCTTGCTTTTGGT  
ACTCCGGAAAAACAAATCTTAATCGAACCCATATTTGCCAATGGATTCAATCCGCTCATGGTAAACTTCATA  
TGGCTTCGATGTACTTTTATCTTCAACAAGCGGCCCGGCTTCAATGCGGGTCGAAGCATATGGTTGCCAGGT  
TGGTTAAATGCTGTTAATGATGGTATGCATCGAACCTTTTGTCTCGCTTGACAACAAGCAAAGCAACCCA

>trans\_c\_5289 BT010777|Arabidopsis thaliana At5g53250 mRNA, complete cds

AAACTTCAACTTCGATTTCAATAGAGGAGAAATATTTGATTTTCTAAATTTTCGGCAATTTTCTAGTCGATTCA  
CAAAACATGAGTTCGTTGAAGCTCACTGCCGTTCCGTTCTGTCGGATTCTTGTTCTTGATTATTCTTCAATTGGCT  
CACGGCCACTCCCACGATATTTACCCGGCGGAAGGTCCTTCTAACGACGGTGAGTTCCTGGCTGTAACACGA  
TTTTCTACATGTGGTTTGATCTCGTCTATTTGATTTGAAATTTACAATTTAGTTCTTCTTCTAACTCTGTAATTT  
GAATCTAACTCTTCAATCTAAATTCTGTAATTTGAAGTGTTCAATTAAGACGATAAGTTCGAGAATCACTTGATT  
AGTTTTTTATTTGAATCTTTTAGTTTAGTTTTGTATTTGATATTTGTTAGTTGTTGTTGCAGGAGCTGCAATTG  
ACCAAGGGATTGCGTACGTTCTTCTTCTGCTTGTCTCTGCCATTACCTACATCATCCATTGACAACCTTTTGTATT  
AATCAAATGATTTTGGGTTTCGATATGTAGTGTTTTTTTTTTTTTTTGTAGTTTTTCTCCCTTGATTGGTGAAGAAAT  
TGCGTTGGAAATTTGAAATTCATTATTCTTTTTTTTTTTTTTTTCTCCCTTAAACTTTTA

>trans\_c\_5290 NM\_126148|Arabidopsis thaliana BT4 (BTB AND TAZ DOMAIN PROTEIN 4); protein binding / transcription regulator (BT4) mRNA, complete cds

TCGATGAAGACAATAGGCCAAAAGAAAAGAGTGAAGAAAATGAATGAAAGGAAGATCTATTTGGAACATTTTG  
AGGCAATGGAGACTCTTGTTTCATATATGTAGAGATGGTTGTCGCACAATCGGCCACACGATAAAGACTTCAA  
GGTGAACCAGCCACCGTGTAATATGCAGCATGCAAGGGGCTAGAATTGCTTATCCGCCACTTTGCAGGCTGC  
AAATTAAGAGCCCCCGGTGGTTGTACCCAATGCAAGAGAATGTGGCAACTCTTGAGTTGCACTCTCATCTTT  
GTGCTGATTCTAATCTCTGTAGAGTTCCTTTGTGCAGGAATTTCAAGGACAGGAGTAAGAAACAGGGCAGGA  
AAGATGAAGTTAAATGGAAATTGTTAGTAAAAAAGATTCTATGGACGAAGGGAGTAGCAAGAACACCATTCT  
TTTTGACGACAGAACTATATAATGAGAACCTGCATTTCTTTTGTATAATCAACTTCAATCCGTAAATCTTTTG  
TTATCTCGATTGCCCCGTTTGTATTCTTTGTGTACATCACAGATCAAAGAAATGAAATCAAAATTTTCTTCATAC  
TACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_5291 NM\_001057442|Oryza sativa Japonica Group Os03g0681700 (Os03g0681700)  
mRNA, complete cds

CCAGAAGTGGATACAGCTGTAAGATCTTTGACGGTTATGTGGGATGGGAGCTTGGTAGTTGCAGCAAATAAT  
CATGGCACATGTTACGTCTGGCGCTTGTTACGTGGCACCCAGACGATGACAACTTTGAGCCACTTCATAAACT  
TCAAGCACACAAGGGATACATTCTCAAGTGTCTTTTCACTGAATTCTGTGAACCCCATCGATACCTTGCCAC  
TGCATCTTCTGACAGCACTGTCAAAATCTGGAACGTCGATGGATTACATTAGAAAAGACCCTTATAGGACAC  
CAACGCTGGGTGTGGGACTGTGTCTTCTCAGTTGATGGTGCATATCTTATAACAGCTTCTTCTGATACTACTGC  
AAGACTCTGGTCCATGTCAACTGGCAAAGAGATGAAGGTTTATCAAGGTCATCATAAAGCAACTATTTGTTGT  
GCCCTTCACGATGGAGCCGAGCCATCGTCGGGTTGAACTGGAGTTGGTGGCCATAGTGTGTGGTATACAGC  
CACCTCCTTTCCGTCATTTGTAAATTATAAAGATATTTGGTTGAGTCTTCCAGTAAGTGACATATTTATAAATC  
AAACAATTTTATTCTTCGGCAATAGAGCTAAATAATTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_5292 BT010772|Arabidopsis thaliana At4g33960 mRNA, complete cds

AGGAGAAAGGAGAATAAGATGATGATAGTAAAGAAGAGAAGAATAAGAAAACAGGAGAGAAGGACAAGAA  
GAACAAGGAAAAAGAAGAAGAGGAGATAGAAGTAAAGAAGAGGATGGTGGCAAAGGAGAGAAGAAGAA  
GAAGACGACGACTAACAACATTTCTCGAAAAAGAAAAAGAAAAAAGAACGACGCGGAACTTGAGAGAA  
GCAGAGAAAATCGTTTCGAAATTTCTCGATCTCAAAGAACTCGAATTCGAAAGCACCGATTTTCCCGTTCTT  
CAATCCGGCGGAGATGGGGATTAGAGATTAGAACTTTGTTTGGAGCTTCTGCGAATGGCTATCAATTCGTC

GTGGTCGTTGCCGAATCCGTCGGCGACGTTATCCACCGGGAATGTCAACCGCAAGCTCTGCCGACGGCGGGC  
GGTAGGGTTCCGGTTCCTTTGTGCGCTTTTACCCCTAAATTCATCCTCCGCTGCCGTCCGCGGGCGGCGATGTG  
GCGATGTTTCGTTCAAGTTAGTGTGAATTTGTTTTTTTTTTTTTAGTAATATTGTAATTGATCTCTTGAAAT  
AATCCAATTATCTTCTTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5293 DQ191664|Solanum tuberosum ribosomal protein S27-like protein mRNA, complete  
cds

CTTCTTCACCTTCATCGCACCGCCTTGTCTCTCGGAACTGTCGTTGGAGTTTTAGGGTTCGCGATCCACAC  
AGTTCCCTTCCTTTGATCATCATGGTCTTCAAACGACATCGATTTGCTCAACCCACCCGCCGAGCTTGAGAA  
GAGAAAGCACAAGCTCAAGCGTCTCGTACAATCGCCAACTCATTCTTCATGGACGTGAAATGCCAGGGTTGC  
TTTAACATAACCACTGTATTCAGTCATTCACAAACAGCTGTGGTATGTGGGAATTGCCAGACGGTCTTGTGCCA  
GCCAACTGGAGGGCGAGCTAAGCTAACAGAAGGGTGCTCCTTTAGAAGAAAGGGCGATTAAATCTTTGCCTC  
AGAATTGGTTTGTAGTAGGATAAGGATGGGTGGGTTGAATTTTGATATTGCAATTGAGCATATTTGTCTTTG  
TCTCGGGTTTTCTTATACATTTTGATGTTGATTATTCAATTTTGCTTGAGAAAGGAAGAGCATTTTGTGTGCA  
CCCTGTTCCAGTACAATGCAACTAAGTTAATTTTGAAGTAATTTACATCGAACTATTTTCGATTTGCTTACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCACCTCGACCCTCAAAAACCTTATCAAAACCCCAACCCCA

>trans\_c\_5294 EU335522|Persea americana isolate Ver16\_2 flavanone-3-hydroxylase (F3H) gene,  
partial cds

TCTTCACTCTCCTCCCAATTTCTTCACAGCAGAAAGTGCTAAGTTTCTTCATCTTCCTCGTTTTCTTTAATTCATT  
TTGTTGTTTTACATTCTTGATCTTCCATTGCAATGCCTCCGACGATATAGCCATTAATCCGTCATGAATTAGCG  
GCGATTTTCGTATCCTATGGATCGAGGAAGCACAATTTATTGCAGGAATGTTGAGTTACTTCGCCTTCGTTCTT  
CTCAGGCGTAGTTAATTAAGCCTGCTATATTTCTTGTCGATCTCGATTCCTATTCGTTATCTCTTGCTTTGTTGT  
GTTCTTCTTTTTTCACTTGAACCTGTTTCTTTCCCTAATTGTGTAGATCTGTGTTTTGTGTTTTGATTTTTT  
GCTCTTGATTTTTACTTGAACAATCTTTGTTGCGTCTTTGAATGTGTCATTTCTTTGCGGCTCCTGTGATGGCA  
TGAAATCTTTGAGACCTGATAGTCTAATTTTGATGACAATCACAAGCATAACTCTGAGGAGTCCTAAGAATAC  
GTATTTTATTTGATTTGTTGTTGATTTTTTATATATATTTTTTGAATTTTGGCTTTTGATTAANAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5295 NM\_100240|Arabidopsis thaliana photosystem II family protein (AT1G03600)  
mRNA, complete cds

CCCCTTCTCCCCTTCCAAAACCTCCAATTTCCCCAAAATCATGGCCTCCCCAACACTCATAACCCCTGTACTTCCA  
AATCTCAGAGCCCCTTCATACCTCTCAAACCCAAATCCACCATTTCCGCCGCCGTAACAACCCCAACCGTCCGCC  
GCCGCGATTTCTTTCTTTGTCCGCATCTGTTCTAGCACCGTCGTTTGTCTGTTCCCTCAATCTCCGGCACTGGC  
GGCTTCGGACGACGAGTACGTGAAGGATACCAATGAGGTGATTGGTAAGGTGAGAACGACGATCACAATGG  
ACCGAAATGACCCGAATGTGGCAGCAGCGGTGGCGGATCTTCGAGAAAGTTCCAATTCTTGGGTGGCTAAGT  
ATAGGAAGGAGAAAGCTCTATTGGGAAGAGCTTCGTTTAGGGATATGTATTCCGGCATTGAATGCTGTGTCGG  
GGCATTATATTAGCTTTGGACCGACCCGCGGGATACCGACAAAGAGGAAGGCAAGGATTTTGAAGAGATG  
GACACTGCGGAGAAAGCTCTGTAAAGAGGGAGATGAAAAATTTATGTGAGGCTTTTTCATTCTTTTTCTTTG  
TAATTTTTATTTATTTTGCATTGGAGTTAACGTTTAAGGGTTATGTAAGTATAGAATTTGGGGAATCACAATT

>trans\_c\_5296 BT006375|Arabidopsis thaliana At1g72880 gene, complete cds

AGAATATGGTGGAAATTGAAACAACCTGGAGCAGTGGGAAAATCTGATTCTGAGCGGGTGAAGAAGTTCTTCC  
GAATGGAGTTTCTGGATAAGGAGCAGGATCACAAGGACGACGACCTGGATTTTACAGCCCTCGAAAATGGAT  
TTGTTGCAATAACCCCTTTTCCCTCACCCCAACATTGATTTGGACATCCAAACGGCTGCCTCTGATTGGATCT  
CCACCGCTCCTCATCAGGCGCAATAGAACCGGTCTCTTTTCGGCGGCAATGATCTTGTGTACATCTAGAGTTCG  
GCTCACTACCCTACATTTTTTTTTCTTCTTTGTGCGTTTCGCATTCTGTCAATTGTTTTCGAATTTAACAAGCTC  
ATTCTGATTACGGCTTTTTCTTTCATTCTCCATTGATATTCCCCTGCCCCAGTCTCCCCAGTCTCAATATATAAA  
TATATATATTTTTAGTTTTGTTAGTTTTCTATTGATTCATGTAGTGTAGTAAAAGTGTAGTTGCTTACTGCAAA  
TCTGTTTGGCATGTTTTATAAAATGCCAGTTTGAACTGCAAGTGGAAATTGTGGTCAAAGTTTGCAATGGA  
TTGGTGGTGGTTCTGTTTCCATTTTAATCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5297 NM\_180725|Arabidopsis thaliana HD2B (HISTONE DEACETYLASE 2B); histone  
deacetylase (HD2B) mRNA, complete cds

TACCTAGTGAGCAAGAATCAGCTAAAGATTATCATGGAAAGTTATATCATAGTTTGATATCCACCAGTCGAGG  
TGTTGGCGATACTCCGATACCGACACAAACAGCTGTAGGTGATCATCCACGCAGTGTTGCAGTGGGAAGAGAC  
CCGAAAACCTGTTTCGTGCAGCAGATATCAATGCTGAACAGTACAAAGAAAGCTAAATCGCGACGACAACGGC  
TTTCTTTCCATCCCCATCTGCCCTCGCCACCTCGTGCCTTCTGTTTGAGCAACAGGTAATTAGCCAAAACCTC  
AAGGGTAAAGAGATTTATAATAGAAGGTATTGTTGTTAAGTCCAGTTTTCATGAGCATTGTCGTTATTTATCTT  
TTTAGCAAATACAAAAACAGTCAATTGCTTGCTTAAGGGGATGGGGTTCGCTAATATTTGTTTGATGCATAAA  
AGAAGTTGGTTGCCTTCAAAGCGCTATAAAAATTTCCATATTATCTTATGTGAAGAGTAGTGGAAAATTAGGTT  
ATACTTTTTTTTTTTGCCCTAATAAATAAGATGTAATGTCATGTCATGGATAGACTCTTTCTTTTAAAGGTATT  
TTGGTCATTTCAATTTTGAGATTAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5298 BT025020|Arabidopsis thaliana At4g28290 mRNA, complete cds

AGGTCAATTTTCAGCGGCGCGCTCTAAATTCTCTCCCGATCTTCTTCATCATTCCCCCTCCCAAATCGGC  
TGAGATCCGACGACCTTCGTCGGATTCGCCATCACCATGAAAGGCTCCTGCACTTTGCTCGCCTCCGTCTTG  
CTGCCTCTACCATGGCTTTCTCCTCTTCATCCTCCTCCACTGGAGATCGCGACCTTCCTCTTTATCCTCCCTCTCAT  
CAGGGCTTCGTTCCGGAATCTGGTGCGAACAGAGGTTGCGGCGCGGATTCTTCATCGGAGAAGGAGAAATTT  
GCGCCGAGGTTTGATGGATTGAGATTCATTGAGACTTTGGTAACTGCTCATAGATAATAATAAAATCCTTAAAT  
GATGCATGTCCTCGCTCTTTCTCCTAATCCATATACCGGATCGTATTCTGTTTCATATGATTATTAGGAAGAGAA  
ATTTTTGTTTTACAATTTGTGAAGTGATTTTACTGACTTTCGAAAATTATGAAGGAAAGAAAAAAGAAAAAA  
GAAGAATCAAGAGATTTTGTGCGAGTTCCTCTTGTTGTAACGGAGTTTCATTGGTGTGAAGAATTGAAAAATTC  
ATGAATGAATTGAACGGGTCTGTCTGTGTGGTTGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5299 X75563|S.oleracea mRNA (omp24) for chloroplast outer envelope 24 kD protein

TTTTGGAAGAAAAGAAATCGTTGTATTATCCGCCGCTTCATCCACAAAGACGATGACTGCTACCAGTATTCGTA  
GTTGATCGATCGCACTTTCCTTCTTCTTTTTCAGATTACAACAGAAATGGAAGACAACCCAAAATTTGTTGCCAT  
GAAAGAAGACGAGAACAAACCCAAAATCCCCCTTCCCTGGTTCTCTTTTCTTCCAAGTTCGACTTCGATTGCC  
TTTCCCGGTCAACGGCGGCAAGAAACTGCCGCTGTGGTGGTTGATGAAACTCGAAAGGCTGACAATGATGC  
TCAGAAGCCGGAGTTTGTGAGGTTTCCTAAAGCAGAGTTACCCGTCGCTTCGGTGGAGGCTGAAGCCGATGT  
TTCCGGGAAGACTTCCAATCCAGCGGTCTGTCTGGCAGGTATATGCCCTGGGTGGGTTTCTAATATTGAGTTGG  
GCATGGGCAAGATGGAAGGAGAGAAGGCCCAAAGACGTTCAAATGATGATGATGAGGACGAGGACTCCG  
GTGATACATAGTTATGTGTTTGCCTTTGAACTGCCCAATAAATGTTGAAGTTAAATTCTTAATGCTAGAACC  
AATCTTGAGTTTATACCGTTTATTTGTAATTTCAAGTTCAATCCGTCATTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

A

>trans\_c\_5300 NM\_126326|Arabidopsis thaliana PLPB (PAS/LOV PROTEIN B); signal transducer/  
two-component sensor (PLPB) mRNA, complete cds

TGGCGAGGGTGGGCATTCTTTGTTTCATCCTTGAGTACATCTCTTAATAGAATTAACGGAGCTTTGTATTAGCG  
GATCCAAACTTACCAGACATGCCTATAGTCTATGCGAGTGACGAGTTTTTGAAATTGACAGGTTATACTAGAT  
GTGAAGTGCTTGGGCGTAACTGTAGATTCTTAAGGGGAATTGACACGGATTCTTCAAGCCTTTTAAAGGAAAA  
ATAAGAGCTCGTTTTGGAATGATCTCCACATATCACCTGTTCTGTAATGCTTCTGGCAAGGTAGCATATTTTGTG  
GGTGTCCAGATGGATGAAGATGATAAAAAGCAGGATGAACATGGGTTCAATCCCAAGATGAGGCAACTGAG  
CACTGAAGGTGCAGGCAAGGTGGCCGTGAGGAGCTTGTGATGACTATGGGTTGTTACAGGGTTAGCCCCG  
TTTCACGTTTTGAATATTAATACTAAATTTTCTCTGTAATTACATCTTCTGAGTAGGTAAATTTGTAGTTTTCTT  
TCGTTCTCTGTAATTACATCCACAATTTACAGAGTGCTTTTCTTAAACATTATTGTGTAACTTCACATTTTTCTA  
ATTATATGGATTGGAGAGTGCTTCAATTTAAGTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5301 Novel Gene

ACATCACTTGAAAAGAAAAATATCCATTTAAAGCTATTGAAAACAACAAAGCCAACAATGTCAAGACAGAAC  
AATGGAGCTGAATCAGTAGCAATTACAATAGACACAACAGAAACAGGTCATGAGAAGAACAAGATGATGAAC  
AACAATAATTGGATAAGAGAAGACACAGATTTTCTAATGGTAGTAACGACATTCATTGCAACCGTAGCATTTCT  
AAATCGGGACGAACCCGCCCCACCGCATATTACCTCCTGACGATAAACAGGGGAAGTACTTTGCAGGGGAAA  
TCCATAATGGCTACAAAATCTCCTTCTGATTTCACTGGATATTTGGTAACAATTACAGCTTGCTTTGTGCTTTCA  
GCAATGCAATTTGCTGTTCTGTTCTTAAGAAATGGCCAGTTGGTGCCAAAAATTGGTCATTTTCAAGGTTTCAT  
TCTTTATTCAACTATGGGATTGGCCATTTCTTCATGGGAATTGCTTATGGATGCTCTGTTAGAGCTTACACACC  
TGACTCAGAGGAAAAAACTCGTTATGTTATTTCTTTTATTACTATGTTGGGGTTTCTATTGGTTTGGCTGCCAT  
TTCATTTACTTAGAATACTTTAATAAATCTTCATCTTCTTAAATAATGTATATATCCGAAGGGTGGGGTC

>trans\_c\_5302 Novel Gene

AAAACACAAGTTCTCACTCACCTTAACAATTTTTCAACCAAAAAATTCATACCCAGAATCCCTCCTGTTCTCTAC  
TTCCTAAAAAACGTTTCTTTTCTTCTTCAAGGTCAAACAAATATGGGAGACAAGAAAGAGAATTTGTTTTGGTC  
AATTATAAAGTCTTTCATTAATTGCTTACTTGGCTTCAATGCTGACGCATCCAAAGCTGCAGCATCTCCATCGG  
GGCCAGAGGCCGCCATGGTGGCCGCAGCAAAGCATTTCTCTTCTGCTCACAAGGTTCTGTTTCAGCTAGTTAAG  
TGTTCAATTTATAAGTCCATGAAGCCGATGTCTACTACTCCATACATGCTTGAGCAAGACACGGTCTCTGCAGC  
TTAACTAACATCCATCAGTTCTCAATTTCTACGTGTCAAAGTTACTAGTAATAATTTGGGTACCTGAAATCT  
TGGCTTGACTTGGTTGCCAAGCATGAAAGGCGCAGGTCATCAAGTTATGTAATGTCAAATACCCCTGTAA  
ACATGTATTATTTCAAGATTGTCAACAATTCAATATAAAGTCACAGTTATATATCTGATACATATGATATAATTT  
AAACTATGCAATATGGTAATTTAAATACACACATCTTCACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5303 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

CTTTTTAGTGCAGTTTCATCTGCCCTCAAACCCTCGCGTTTTTTTAAATTTGTTACCGTCTCTTTCTCCGTCGC  
TCTCTGCGTCACGCGCCGCCCCGTTTTCCGGCGGCTACTCATTCTCCTTTCCGATCCTTCCGATTATCTATCCTA  
TCCGCTTTTCATTATCATTCTCTCATCCTGAAAAATCAAACCAATTATTCCTTTCTTTTAGTAGTAGGAAGATT  
TTTCCTTCGGGGTTGTTTATTTTGTCTCAATTTCTATTATCTTTAAAGGGTTTTGTTATCTCCCCCGGTTGTT  
GTTGCGTTTTGCTGGCCTTTTTGAGTGTCTGAAGATTCGCCGTTCAATTCCTTCTTAGGGTTTGTCTGA  
ATAACAAAATTAGGAGAGGGAAAGTGAGGAGAAAAGAAAAAATAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGATTTTTTGAACAGAGTGAAATTATTACCAGTATGGCGGCTCAGGTGCAAGCTCAGCCTCAGAA

TGCTATTTCCGGCATCAATCCAGCGGCGAATGGCGGGTGCAATTTTGTCACTACTTCTTTGTACGTCGGAGATC  
TGGACCTGAATGTCACGGATTGCGAGCTTTATGACATTTTTCATCAAGTGGGGCAGGTAGTT

>trans\_c\_5304 Novel Gene

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTGAACTGACCGTACCCCAAACCGACACAGGTGAACAAGTAGAGTATAC  
TAGGGCGCTTGAGAGAACCATGTCTAAGGAACTCGGCCAAAATAGCCCCGTAACCTCGGGAGAAGGGGTGCCT  
CCTCACCTTTTTCTTAGGAAAGCGGCACATACCAGGGGGTAGCGACTGTTTATTAACACAGGACTCTGCT  
AAGTGGTAACACGATGTATAGAGTCTGACACCTGCCCCGGTGCTGGAAGGTCGGAAGGAGAAGTGTGATAAG  
CTTTGAATGGAAGCCCCGGTAAACGGCGGCCGGAAGATAACGGTCCTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTCGGG  
TAAGTCCGACCCGACGAATGGTGTACGACTGCCCCGCTGTCTCCGACATGGACCCGGTGAAATTGAATTC  
TCCGTGAAGATGCGGAGTACCAACAATCGAGTAATAAGACCCCGTGACCTTCACTATAGCTTCGCAGTGACA  
ACCTTGATCGAATGTGTAGGATAGGTGGGAGGTGGTGACACACAACGACCAATCCTGAAAGACCACTCTTTC  
GTCTAAGGATGCCTCCTAAAGAGTAACGGAGGTGTGCGAACCATCCGAGTTCGAGTCTAACTGCTCGTGAGC  
GTACGTTGT

>trans\_c\_5305 HM627262|Populus suaveolens miR168a microRNA locus genomic sequence

GCACTTCATAGGGTTTAATCTACGTCATTTCTCGCAGCTTACCGTCGCTTGCCGCCGAGCGGGAAGCTTTACT  
GGAAATTTACCCGCGTTGTTTCTTTTCGGTTACAACACCGGCGGTCTCTAATTCGCTTGGTGCAGGTGCGGAAC  
CGCTTCGCTCAGCCTACGTTTACGTTTTGTCGTTGGCCGGTCTTCTTCATTTTCCTTTTTGTTCTTCTGCTT  
TTGTTTTTGCTAATTTCTTTGCCGCTGTGCGGTGTTATCTTGTGCGAAAATGTGTGGGCGAATTGGATCCCG  
CCTTGATCAACTGAATCGAAAACCGTGGTGAAGATTGCTTGGATTCTTCTTCTCCTCAGATCTCAGGTACAA  
TAGACTATGTTTGGGATACACAAATTAAGAAGCAAACAGATGTCTTGTAAAGTAAACCGGGAACTTGGTG  
GATGGATTTTCTTCTTCCCTTCTTCAGTTCGAATCCTTTGCGGCAATAAAGTGAAGGAGAGAAAAATAGAA  
GTCTATGTGCCACATGTCATTAAATAATATATTTTATGAATTCTTCATTCTTAAACCATTTCGTCTATGATGAATG  
GAGACAACCATAGGAAAAAAAAAATGCATTTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5306 FJ362594|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L31 (RPL31C) mRNA, complete cds

CTTCGCTTCTAACCTCTTTAATCGAAGAAGCCGACTGCAGATATGGTTGAGAAAACGAAGGGAAGGAAGGA  
GGAGGTGGTTAGCAGAGAGTACACCATCAATCTACACAAGCGTTTGCATGGCTGTACCTTCAAGACAGGAAC  
TCCCAAGGCCATCAAAGAGATAAGGAAGTTTGCCGAGAAAGCAATGGGAACAAAGGATGTCAGAGTGGACG  
TGAACTGAACAAGCATATTTGGAGCAGAGGAATTGCAAGTGTTCCAAGGAGAATTAGAGTTCGTATTGCAC  
GCAAGAGGAACGACGATGAAGATGCAAAGGAAGAACTGTATTCTTGTACTGTTGCAGAAATTCAGCAG  
AAGGTTTGAAAGGATTAGGCACTAAGGTCATTGATGAAGAAGATTGATCTATCACACATATTATCTGTTATTTT  
CAACTTTTTGGCAAAAATTTTGGTGCAAGACTTGTGTGAGTCAGAGTTATTCTTCATTGTCCTTGCTTGGTTC  
ACTTGTTATTTTACTTTGAAATCTTAGCTGAAGCAGCGTTTTGTTAGTTATAATAGAAGTTGCAATGCTTTTAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_5307 XM\_002873678|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata APG6/CLPB-P/CLPB3, mRNA

CAGAGTTCATGAACAGAGTTGATGAATATATTGTTTTCCAACCTCTGGATCGTGATCAAATCAGCAGTATTGTT  
AGGTTACAGCTGCAACGGGTTCAAAAGAGAGTTGCAGACAAGAAGATGAAGATCGAGGTGAGCGATGCAGC  
AGTTCAACTTCTTGGAAGTCTCGGGTATGACCCGAACCTATGGGGCTAGGCCGGTGAAGCGTGTGATACAGCA  
GAATGTGGAGAATGAAATTGCGAAGGGCATATTGAAAGGAGAATTCAAGGATGAGGACACGATTTTAATAG  
ACACAGAAGTATCAGTCTTAACGGCCAACCTCCCTCAGCAAAAACCTGTTTTCAGAAGAGTTGAGAACAAAGT



TGCTGAGAATCCAAATGCAGACAACAGAGAGGCTTCTGCTCAGATTCTATGAAAACAGATGCCTCACTATTTA  
CATATTTTCTCGGTAGCTTTGTTAGTAAATTTCTTAGTTAATAGTTTTCTTTTCGTATACACTTCAAGAAATC  
GATGTTTCATATACTTCAGTTTCAAACCTAAGCAAGGCCACCCTTTGAAAGCCAATAATTATCGTTAGGGGATTA  
AATGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_5308 BT004646|Arabidopsis thaliana At5g50335 gene, complete cds

ACAACACAAATCAAGTTTGCGACTTTCCATCATTTCTTAAAAAACATCTTTCTTTGTTTAGCTTTGTAATTA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAGAAGAAAAATGGTGTCTAAAGTGAAGAAACACTGAGGAGGAAGTA  
CCAGCAAGTTCAGCTCCGACGACGCGGTGTCAGCGGTGGCAGCGGCGACGACGCGGCGACGACGAAGC  
AAATCCAATGCAATAAAGCCAAATATCCGAAATTCAAGAGAAGTAGCTCCAATGTTGAAGAAGATGGCGCCTC  
TTCCGCCATGCTTTTGCTTGCTTGCTTTGCTCTCTGATTTAGAGACGGAGCCGCATCCGCGATATGG  
AGGAGGGATTAGCTGTTGTTCTCTCGACGCCGGTCTGCGAAGGCCACTTCCGGTAGCTAATTATGAGTACAGA  
ATATTAATGGTCGCCTTAGTTTTCTCTGATTTAGGAGTGATTTATTAGATTGCTAAGATATATATTCTTTATTT  
TATTTTGGCCCTAATTAGTTTTCTTTTCGCGTTATTAATTATGTACCTTTTGAAAATTATTCTCAATATAAAT  
ATATTTCTTTCTGTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5309 Novel Gene

GACAAAAAAGTAATGAAATGCTACATTAAACATCTATTATACAAAAATATTCTGTGCATTCAAGTGCACGACC  
GCACCTTACTGAAAATATCTTGGCTTCCTTGGCTGTGTCAAAGTTAATTAGTTCAATTTGCCGACACCTGACGA  
GATGAAGGAGAGGGGAATACTACAGTTTTCATACCGATGAGGAAGCTTACTTTATATCATAAAGCAAAACT  
TAGTCTCTATACTCTAAAATAACTATCGACCATGAACAAGCACACTGGATTAATCAGGAGTAAGACATAATCCT  
AGCAATTCGTTACATCTATTATGAGTTTGGTACTTCTCTAGAAAATAAATTAAGCTTTTAAATTAATAAAAA  
CATTGGTAAGAATTTGAAATAGTTGATCAAGTTCCTTCTATATTGTCCGGCCTGCTCCTTTGGTGGCCTCAGCT  
GTCTAGCCAGATCCGACGATGATGTTATTGATGGGGATAAAGATGAGCTTGACGAAAAACCAACGAATCCC  
ATGACGACGAAGCCAATCGCTGTACGAACCGCGACCTTTGTGAACCTTTGCGATCGGGTTTGTGACAGCGCT  
TGACGAGACGTACGCTATCCTTAGCGAACTCCCGGAGTGGATCGAAGACGGAATCAATGGCGTCCATT

>trans\_c\_5310 XM\_002308374|Populus trichocarpa stress-induced hydrophobic peptide, mRNA

AAAAGAGAAAAAGGGAAAAGACTTAAATTGTTATGATCAATCCATATAACAAACGAACTCTCTTCTCACAC  
ATCAAACTACTTCTTCACTTCCACAAACTCTCTCTCTCGGATCAAAAATGGTGAACGGTTGTGAGATCTGC  
TGCGAGATTCTCATCGCCATCCTCATTCTCTCTAGGAGTTTGCTCAAATTCGGCTGTTGTACGGTGGAGTTT  
TGTCTGTGTTTGATTCTGACTCTTCTCGGTTACGTTCCGGGGATCATTTACGCAGTCTACGCCATTGCGTTCGTG  
GATCGTGACCAGTTCTTTGATGAGTACAGGCGTCCGCTCTATTCGTCGGCGTCGGCGGATTAAACAAGTTTCG  
AATAATTTCTTGATCTATGTGTTTTCACTTATGGATCAATAATTTGTTGGTTCCTATGTAGTTTTTTGTTTGGGA  
TATTGAATTGGGTTTCATCTTCTTAGATATTTGTATGGCTCTGTCTTTCTTGATTGGATTGGATTTTAACACA  
ATATGAATTAAGTGGGCCATTTGATTATCGTTACTTTGTTATTGTAACATGATATCCATGTCTATACTTTCA  
AATCTACTAAGCTATGTAAGATATTCAATTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5311 U93166|Prunus armeniaca cysteine protease mRNA, complete cds

CGATGTCTAAACTCCGATCACATTGCCATCGATTAATCTGATCTCATCCCATTGGGTTTCGTCTTCTTTCCAAA  
TTCCGTGGAGAAGAAGAACAGTGAGAGAGTAAGAATCTGCAACAATGGCTTCACGGCTGTTCTTTGTTTCCTC  
TGTCTTTTGCTACTTTCCTGTGCAGTTGCCGGATCTGTTTCGATGATTCCAATCCCATTTCGTATGGTCTCTGAC  
CGTCTTCGTGAATTGGAATTAGAGGTTGTTGCTGTCCTCGGTCAAGTTCCTCACGCTCTCCGATTCGCTCGATT

CGCTACCCGGTATGGGAAGAAGTACGAGACGGCGGAGGAGATGAAACGCCGATTGGGATTTCTTGGAGA  
GTTTGGAACTGATCAAATCGACTAATAACAAGGCCTTTCTTATAAGCTTGGTGTTAATCAATTTGCGGATTGG  
ACGTGGGAAGAGTTCAAAAAACATAGGCTAGGAGCTGCTCAAACTGCTCTGCTACCACGAAAGGAAGTCAC  
AAGCTTACTGATGCTGTTCTCTGAATCGAAAGACTGGAGGAAAGATGGCATAGTTAGTCTGTAAAGATC  
AAGGCCACTGTGGTCTTGCTGGACATTCAGTACAACCTGGAGCGCTGTCCTATTAACGCATGTGCTGTG

>trans\_c\_5312 Novel Gene

AGGCTCAGGTTCTCCGACGCTCAATCGCAGAAGAACTTGAAATCAACCGAAGAAGATTGTGTCTTTCTTAC  
CCGATTTAAATATGATACCCTCAGAAGATTAAGTCAAAATACATCGACTCTCTCCCTCTTGCTCTCGT  
TCTCTTTCTTGTTTTCTGTTCTTGCTAATATGTTGACATGGGCAGGCACAGATTGTAAAGCCATGAGAGCTCCA  
ATGGCTTTACAATTTGTAGATGGCAAAAAGCTTGCCGTCTTGTAAGAAGAACATTCAATTCTGTCTGTTATTAG  
CATTTGTTAATTCCTATGTTTCTTACAAATTTTTCTCTCCCTTTTTGAAGGATGTAAGTCTGTTGGGTAA  
CAAATTGTTGAATCCCTCTAGAAGAATGGTGTAGGGTTGATTCAATTCGTTGTAGCGTTATTATATAGGTACAT  
AGTTACTGAATTTGTTGTCATGACTTTGTTGTTATAAAAATTATTTTTCTTTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCTCGAAAATTTATAAACCCCGCAACCCCGG

>trans\_c\_5313 NM\_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)  
mRNA, complete cds

GAACTCAAACAAGAAATTTCTTCAAGCCCTACCTCGTGATCGTCCGAGAAATTTAGAATAAATAAGAGAAA  
AATCCCATGGCTTTGAATTCGTCTTCAGCAACGGCGTTAGCGACTACAAGCGATGTCCTGTTCTTTCTCCAG  
AGATCAGCTTCGTGATATTTTCTCAAGCACGACGGCGACGGCGACGGCCGTCTTTCACGTCTGGAATTGAAA  
TCGGCCTTCGACTCCTTAGGATCTAATTGGAGCCGTTTCAGAGCTCGCCAGTCACTCAAAGCCGCGGATGCCG  
ACGGCGATGGTTACGTTACTCTCGATGAACCTTGATGGCCTTCTTGATTACGCTGTAAGACGCGAATACGCTATT  
ATTTGAAGAATCCTTCGTCTTACTTAATTGTTAGTTTGGTTATATTGTAACTATATATTTGAATTAAGACTATC  
GTATTAACAATAAGCGAAGTGTGTATGGGTCTTCTTCTTATTCTTCTGAGGGTCTGGAGTTTCAAACGTTT  
CTGTTCCCCCGCGAGTTCTCACTTGTCGTGGTGTGAAGTCTACTTGATTATATACTAAAAATAAATCCAA  
TAACTGCTCTTCTATTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5314 FJ358540|Gossypium hirsutum bHLH domain protein (bHLH1) mRNA, complete cds

AAGATTATTCCTTTTTCCGATTCTGTTTCTTCCAATCTCAATCGCATGACGGATTATCGTTTGTGACGATGA  
ATCTCTGGACTGACGAGAACGCGTCGGTGATGGACGCTTTCATGAATCCGATCTCTCTCCTACTGGGCTCCA  
TCAGCCGCCTCCTCTCACTCTCTTACCATCCACCACCACCTCAGTCTCCGCCTCAACGTCCACTCCCCGCCG  
GACCCACCTAAGTCCCTCCCCGTTTTCAATCAGGAGACTCTGCAGCAGCGGCTCCAGGCGCTGATTGACGGTG  
CTAGGGAGAGTTGGACTTATGCGATTTTCTGGCAGTCATCTTATGATTATTCGGTGGGTCTGTTTTGGGGTG  
GGGTGATGGGTATTACAAATGATGAAGATCTGAAAATAGGGAAAAGAAAGGTAATGGATATGGAGATTGAA  
GTTAAAATCATGGGTGGGATGCGATGATCAGAATTCAAAGCAACAAGAAGAATCATCCGGCGGCGAGGTTG  
ATGACGGCGTTTAAGGATTTGGATTTAGAAATGCTTACGCCAGTGTTTCTGTAGTGAATGATTTGATGATTCA  
ACAAGCAACAGTGAAGATGGGGAGCAGATTTTACACACAAGAGCAGCTTAACTCGATTGGCGCGGGG

>trans\_c\_5315 AY104822|Zea mays PCO131452 mRNA sequence

TCCTGAAAGGATTGCGGTGATAGTTGATATTCAATTCGAAGCTTAATTGCTCGAAGAACAAATTTTTCTTTGTG  
TGTTTTCTTCGAGGAGAATAATATCAAGGTCGCTGAGTATGGCGAGAGACAGCTGTTTGGCTCGAGTTACTGC  
CGGAGTTGCCGTTGGTGGCGCCGTAGGAGGAGCCGTCGGTGCTGTTTATGGGACTTATGAGGCCATTAGATT

TAAGGTCCCAGGACTATTGAAAATTAGGTATATTGGACAAACAACACTTGGAAGTGCTGCCATATTTGGCCTT  
TTCTTAGGGGCAGGGAGTTTGATACATTGTGGAAAGTCATATTAAATCACAAGGTTTTGTAATTGGATCAGAT  
AATATTGTTTCTTTTTTTTTTTTAAATCTTCTTTAGATTCTTGCTTTCAACATGAAGTTTGAGTTAGTGCAGTTG  
GTCATTTGTTTATTTAAAGGCTTCATTTGTGGTTGTTGGTTAAAGAACAAGTGGTCAATTGATGGTGATAT  
GGTTTCACCTATTTAGATGTCATGAAATATTGATTCTCGTTTCAAGATTTTAATTTTAGGGATATATCGAGTTA  
TCTTTTAAATTTAAAGATTCATCAAAGTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5316 BT026001|Arabidopsis thaliana At4g16695 mRNA, complete cds

AGGATACTACTTGTATTTGAATCTAAGTGTATCTTATTAAGAAGAAGAACGATGAACTCAACAAACCCTAATA  
AATTATTGTTTGTGTTAGTTTCTTCTTTGCCGTTTCCATATCAACCGCCATGGCTGATTCTGTTGAAGCTTCTTC  
AACTCATTCCATAGCTTCATCCATGCCCTCTTCAACCCCGCAGTTCACATTGTTTACACCGAACTCCTCCGGA  
TGAGAACCCCAAGGACTTCATATCCGAACCTGGCTTCTGCTCTCGGAAGTGAAGAGGCTGCCAAGGATGC  
GCTTGTTTACAGTCACAAGACGGCTGTGCGGTGGATTCTCTGCAAAGCTCACTCCCGACCAGGTTTCTCGAGTTT  
CCCAACAACCAGGGGTTCTACAGGTCATTCCAGACAGCCAGGTTGGGTTGCACCGTTAAAGGATTTCTGCTCCG  
TCGCCTTCAAGTCAGGTGTAAGATTGCGGACTAACGAGTGAGTCTCACCTTCTGTAAGCTCAGTTATAGTTCTT  
ATATTTAAGCACTTTTATTTGTTGTTGTACAAAACCTTATATGTTATTAGCATGTTGATCCCTACACTTGCTCA  
GTAAAAAGTTATGTAGATTTTCACATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5317 Novel Gene

ATATGAAAATTTAATAGTATGCTCCCAAAGACACCCTTAGAACACAAAGTAGAAATCAGGAATGGAGAAGTG  
AAATAAACGGTTGCGGTTCTTCTCCTCCCTTACCAAAATCCACGGCTTCAACCTTATTCGATCCTCTCGATC  
TCTAAACAAAATGCCTTTTCAGCACGTTTCATTGAAGTGGAACCGCCAGTCCACTCCGATACATAATTGGGGCT  
GTTATAATGATGATCGGAGTCGTATTGCCTCTTGGATACATGCTGTTCCGGAATAAGCGTGGACCTTCTTCTC  
TTCTTCTTACTCCAAACAGACGACCAAGTCTTGATTTAGTTCCATAGAGGAAGAGACGCTTCTATTTCAGTTTT  
GGGGTCTCAGCTAATGGAGGGTGATGCTATTCTTCACAGGGTAATGTAAAAAATGCATTGAGATTTCAAATTT  
CTGTGGAACTAACACGATTATAGTCCTAATCCAATTAAGGCATCGTCGTTTTGTATCGCTGAAAGAATTGTGT  
GGTACTGTTGATGACAGTCATTCATAGAGCCATGAAAGTAGTCTTTCTTGGTCCTTAAGGTTCTCTTTCCCATC  
AGTGACTTCTCAATTCAAAGATTTTAGGTTTAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5318 NM\_124264|Arabidopsis thaliana SAD1 (SUPERSENSITIVE TO ABA AND DROUGHT  
1); RNA binding (SAD1) mRNA, complete cds

TTCGTTTCGTTGGATGAGTCGTCGAAGGGGAATTATAAGCCACGCCCTTCTTTGCTCTTTGCTGCCTTCGCAGA  
TTCAACTCGCAGGCCCTTTCTTCTTTTCTTCTCTCTCATTCCCAGTAAAAAGCAAATTCATGGCTACCAATCCTTC  
ACAGTTACTACCGTCGGAGTTAATCGACCGATGTATTGGGTCTAAATATGGGTAATTATGAAGGGCGACAAA  
GAGCTCGTTGGCACTCTCAGAGGATTTGATGTTTATGTTAACATGGTTCTTGAAGATGTTACTGAATATGAGAT  
CACAGCTGAGGGGAGGCGGATAACAAAGCTGGATCAGATTCTACTCAATGGGAACAACATTGCTATTCTTGTT  
CCCGGTGGATCGCCTGACCCAGAATAGGCTTGGAATATGGATAGCATGTTTTGGCCGGCAATCTTTGCATCA  
TTGTTATGAGTTGCCTCCTTGCACTCAACATTTACTTTATCTTTTCGATATAGAATGACTCAGGTGACAAATTTCA  
TGTATTTGATTGAAGTAAAGCGTTTTAGTTTCTTTGATATGAATCAGTGTTAGATTCCTTCATCTTGGCTGCTTC  
CGATAGAAATATGTTGGCTTAATTGTGAAGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5319 Novel Gene

CATTTCCCTTCTCCCCATCACATTTTCCCTTCTCTTCATTTCCACCTTGCTCCAATTCCTCCGAGGGTTGAAGG  
TATGCAGTCAAAGTCTGAAACCAATAATCAGCTCGATCCAAATGGTGCACCATCGACGAGTATCTATTATGAA

CCCTGGTGGCGTGGCATGGGGTACAATACTTTTCCATTACCTGTGGTTGGGGGAAATGCTTCCAGTTCAACTT  
CTCTTGAATTCCCTAATGGTGGTTCAGAGTCAAATGATGGCCAATCTGTGTCTAATAATGATGTAAATGATGAA  
GAAGATGATGTTTCTAAAGAAGTGCAAGCTACTGGATCTCCACATTCTGCGGGAAGCTACAGACAGGATACTC  
GGAAGATGCAGCATGTTTCGTCCACTTTGCCAGCTATGCACGGTGAATGTCTGACGCAGTCTACACAACCTCGA  
ACTTGTGGTCACTCTATTGCTTGTGCATCAAATCCTTATCAGGATCCATATTATGGAGGAATGATGGCCTTCT  
ATGGTCATCAGCCCTTGGGCTATCCCATGGTTGGAGGACCACATGCTAGAATGCCATTGCCATTGAGATAGC  
ACAAGACCCCGTTTTTGTGAATGCAAAGCAATACCAGGGAATTTTGAGGCGAAGGCAAGCACGTG

>trans\_c\_5320 U01964|Glycine max cv. Dare photosystem II type I chlorophyll a/b-binding protein  
(lhcb1\*7) gene, complete cds

ATGTTGTGTGACTGGGTGAGAAAGTGGTCAGCCAAGTTTTCCAAAGGACCTTTCTGTAAACAATAGCTT  
GAACGAAGAATCCAAACATGGAAAACATAGCCAACCTTCCATTCTTCAACTCCTTAACCTTCAACTCAGCGAAG  
GCCTCTGGGTGATCAGCCAAACCCAATGGGTGGAAGTTCACCTGGGTAGATGGGGTCAGTCACCTCCCCGA  
GCGGGCCGCCGGAATACGGTAACCCTCGACGGCACCCATCAACACAACCTGCCAACCCCACTACCGCAAAAT  
GCTCTGAGCGTGGACCAAGCTAGGGTTGCCAAGTAGTCGAGCCACCTTCGCTGAAGATCTGAGACCCAGTT  
CCAGTTGTGTGACTTCACCGAATTCACACCATTGCGAGACAAAAGCTCAGGGAAAACGCACCCCAAAGCTC  
CAAGCATGGCCCATCTGGAGTGGATCACTTCCAACCTACGGTCTTGGCGAAGGTCTCGGGATCAGCTGAAAG  
TCCAGCAGTGTCCCATCCGTAGTCACCAGGGAACCTCTCCGGTTAGGTAGGATGGTGGCTCACCAGAGAATGG  
GCCCAAGTATTTGACACGGTTCGGGGCCGTACCATGGGCTGCCGGAGGAACTGGCTTGGTGGCAGTTTTCC

>trans\_c\_5321 Novel Gene

ATAGTCAAGCCCTACGCGACTTCGATTTCTTTCTCTGCTCTCGCATCACCTCGCAGCGGAAGATTTTTGAAGTT  
TCACTCATGGATCCTCAACCCGAACCAGTCAGCTACATCTGTGGAGATTGTGGAATGGAGAACACTCTGAAGC  
AGGGTGATGTTATACAGTGCCGGGAGTGTGGTTATTGTATTCTCTACAAGAAGCGCACCCGTCGCATTGTTCA  
GTACGAGGCCCGCTGAAATGCTTATTCTTGCGATGGACTTCTAGTATCATGCATATTTTGTAAGTTTCTTTTAG  
GAAAACAAAAACGATACTCGATATGGACTAAGGACTTGCTGTAGTACAAAACATGTTGATAACGCTGCTTAA  
TATTTTTCATTATCCTCTTGCTAACTCCATATCCAACCTGATAATATGATATGAATGGTTTATCTCTTGATAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGGCCCCCCCCGCCCCCAAACTTAACCAACCCCCCACCCCGGGGGGGGGCCCCGG  
ACCAATTCCCCCAAAGGGGGGCCAATACCCCCGCCCCCGGCCGCTTTTACAAACGCCGGGCC

>trans\_c\_5322 NM\_001067277|Oryza sativa Japonica Group Os07g0694800 (Os07g0694800)  
mRNA, complete cds

CACTGACATCAACCGTGAAATGGAAGCAACTGGGAAGTTCAAATGAAGAGAAAGAACTTTTCCAGTTGGT  
GGGGAAGGCGAATTCAAATCTTGCTGATGTTATTCTGAAGCTTGGACTTTTGGAGAGATCTGACATTGCGTGG  
AAGGATGCAAATATGCTCAAATATGGGAATATCTCAGAGACGAGTTTGAGTTAACACAAAGATTTGCAAGTC  
TGGATTTCAAATTGAAGTTTGTGGAGCATAATATTCGATTCTACAAAAGATTCTTCAAAACAGGAAATCAGAT  
TTTTTGAATGGCTGATCATTGCATTAATCGGTGCAGAAATTTTACTCTCACTTTATGACATTATTCATAGATCA  
GCAGCTAATCTTAGCACTGTTTCTTTCTGATCCTTGAGTTGGAACCTGGGAAATTTTGGCTCCTTGATCGG  
GGTACGTATATCGCCACTGCAATTTATACAATGTACATAGCTATGTAAATTTGGAACATTCTGCTATACGACTC  
CGATAATTTGCGATAGCTCTTAAGGTGCAGAATGGTTGGTTATAGTTAAAAGAGTATTTTAAACAGTTCTAC  
AATCTTTGTTGAAGTAATGAATCTCAGCCTTGCTTCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5323 Novel Gene

ACCTTAGCCATGGGACCTCACCCGACCTCTTCACTTCCAGGTCCCTCCCTCCAACGCTCATTTTCACCTCCATTCT  
TCTGTTTTCCATTTGCTTTCATTGACAATCATGCATGAGAGAGATGATTCTTCTGTGATGGTTGAGAAAGATGT  
TACGGAATCAGTTTCAAGCTTACCGAAAGATTGCAAACCTAACAGAGGTAGGGAGAATGTTGTGAAGGCTGA  
ACCTACGCGACAGATTGATATGGCTGGGGAAATTAATATGGAGGCTTCCATGTCGGCTGATGATGTTTTACGG  
GCTGGAGGGTTTGGTGCAGGGGATGAAATTGGTAGTTTTCTTCTGTTGCAAGCGATTCTACTGACTTTGAGG  
CTACGATTCTCAATGCTCGAGACTATGAAGGGCCACAGGGGGAAATTTCTAGACCAGGTCTTGGGTGGAAAG  
AAGCTACAAAAACTGAGTAGTTCTGCTTTGAGCATTGTTTTGTTTTGTTCAACTTCAGTCATTTGTAAGTATGGTTT  
GTTTACTAGGTCTGTACAGGATTGTGTTTTGAATAAATATAGATCATGATCCATTGGGATCCNAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5324 Novel Gene

AACAAATCCTGTGATAGTAGTTATTGACGCGAGAGAAAAGGAATTCTTCCTTTTCACTTACGGATTTCGTCTTCT  
TCCTTCCAATTGATTATTCAGGTTTCAATTCTGCAGCAATGTCCGGCCAATCCACGGCGGTGCACATCGTTTA  
CACTGAGAGGCCTCACAATGAAGAACCCGAGGCCTATCACATCCGAACCCTAGCTTCTGTTCTTGGCAGTCAA  
GACGCTGCTAGGGAGGCTCTTGTGTATAGCTATAAAAAATGCTGCTAGTGGCTTCTCTGCTCGGCTTACGTCCG  
ATCAGGTTGCGGAGATTGCCAAACAACCAGGAGTTTTGCAGGTTGTCCAAAGCGGTAATAAAGCTGCATTCT  
TGGAGGAGGAGCAGCAAGGCTTCATTAGAAGAACCAACTCTCCCCGAAATATCGGTTTATTGCCTAGATA  
AGGTGTGTTTAGTATATATTGGGATCATACTGTATAATACACGCACATGTTACTATAAGATAGTGTTCCTATG  
GAGTTTAAAAAAGTAAATAAAAAAATTACACGTATATCTATTTGCTATAATACGTCTGGTTGTACCTTTTGGC  
CATTGACAATGAAGCGAATGTTTTGCCTTTTACTTGTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5325 AJ298828|Fagus sylvatica partial mRNA for protein phosphatase (pp1-1 gene)

ATATTGGTTATTGGGAGGGGATTGGTCGTGGTCCCAAAGTTGATCCATCCTTTGCCACCTCCCCTCCAGTCACC  
CGAAACATCTCCGGAACGCACGGTTGAAGACACTTGGATGCAGGAACTTAACATTCAGAGACCTCCAACCTCCA  
ACCCGCGGCCGCCACAGCCTGATCTAGACCGTAGCTCTCTTGCTTATATATGATTTTATCTGTTTGCCTCGCTA  
ATAACGTTTCAGATTCAGTGTGATTCTCCAGTATCCTCAGCGATCAACATCTTCTGCATTTGATGACAACAAAAT  
AATTGCACCAGGACCTTTTAGTTTATGGAAGATACGACATTGATGTTGCACAAAGCATAAAATAGTGGTTCATT  
TTTTCTACATTGGGGCCACATTTATACTATTGTAATATATGTGACATTTAATTTGTGAGTGTATGTTAGGTTGTA  
GCCCCAACATAGATTTTACAGGTAGTGTGTTAATGTTGTAGGATAAACGTGTAGTTATTTAATTTACCTTAGAA  
TGTGTTTTCCAAGTGACCCTTATTCTTGTAAGTGCATTTTAAATACACTGATGTGATGCATTTTCTCACTCCAA  
AGTGAGTAATAATACCATTTTACTGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5326 Novel Gene

CAGAAGGCACGATTTACTTCCAAAGAAGGAATTACATGACAAGTAGGAAACATCACCTTGTTATACTCGAGCA  
TGGCTGATTAACAAGGACGAAAACGGAAATCATTCTTTATCCCATCCGACCTGGAGAGTTTGACCCTAGCATT  
CACGCGTTAATCTTATACCTCACAAGTCCGAAGTTTAAACAGCAGCACTCTAAGATACCAGTCTGTTTCATCAAA  
CAAGCATGAAGAGAAAGCGGCAAAGGTTGAATGTGTCGGTCAGAGATTAGGTGGTACTAATCTTTTTGTTTG  
ATCTGTCAATTTGAAGTTATTCTAACATGAATATTTACATGGCTGTTTACGGAATTTTATTCATATAGCGAGTCT  
TGATAGAACAATGTTCACTACAATTCATAATCATGATATGGATCCTTAGCGAACGAGTTTTTGTGAATAGGTT  
TATTTTCAAAGTTATTGGTATAGAAGTTGCGTTCAAATAATCCGACAACTCGAACTACTCAACCTAAATTATAA  
ATGTTGGGTTGGGTTGGGTTAGTTTTCTTTGTGATTGGTTGTTGTTATAATTTTACATATTATTATGAAGTT  
TTTTTAAAAATTGTAATAAATAAATTCGAATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5327 BT021999|Arabidopsis thaliana At4g24750 gene, complete cds

TCCCTGGCTGCATGTGAAATCCTCTACAATGCTGGTTATAGAAACCTTTCTGGGTTCAAGGCGGTCTAGATGC  
TGCGGAAGAAGAGGATCTTGTCTAGAGAAGGTCCTCAACCTTTGAAATTCGCTGGGATTGGTGGGCTTTCAGA  
ATTCCTTGGTTGGACAGATCAACAAAGGATAGCTGGTGCAAAAGAAGGTTGGGGTTATCGCTTGGTTTACTCT  
GCTCGTTTGATTGCAGTCTTCATCTTTGCGGATGCCTTGTTTATTGGCGTCCAACAATTGGCTCGCTATGTTTCA  
GAATTACGGTCTCACTGAGATGACTATCTGGAGTTTGTGTAGTAGAATGAAAGACATTTGAGACTGAAGTCTT  
GAAGTTTTGGCTAGAGTAGAGAGGTTATGTGTGATGGAGAAATTTGTTGATACTCTATTGTATATTCTTGAGT  
CTAGTTTTCATTTTTGTGCAAGAGCCTGCCCATTTTGCATTAGTAGGGAAAGAAGTAGAGATTTTGAGGTGGA  
ATTTACAGCCACTTGAAGAAGTACATGAGAATGAATAATAATAGCATGTTATATTGTAAAAGAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5328 AF077955|Arabidopsis thaliana branched-chain alpha keto-acid dehydrogenase E1  
alpha subunit mRNA, partial cds

AATTTCTATTTCTCCTCTTTCTTTTTCTTTTTCTCTATGATTATTAATTTCTAAATTATCATTTACTTTTTACTTC  
CAATTTTCACATCACTATGATTCGCTTTGTCCGATCTTCATCTCCGAATCTCATCCACCGAATTCTCAACCGAAAC  
TTTCACTGTTCCGATTCTTCAATGGCGGTCCGGTGCGGGCGTCGCCGGAAGGATTACTCTCCGGATTTCTTG  
GCCGACATGTCGTTTTGAATCCACCGAAGCTGCGCGACATGTGGATCACTTTATGTTCCCTAACCATGACGATC  
AGGAGTTGGATTTCCGGGAGGAAGCGTTCCATTTAGAAATGAAATGAGATTCATTTCCGAGTCCACTGAAAA  
GCGAGTTCCATGTTATCGTGTGCTTCATGAACTGGGGACATCATTACACCAAACAATTTCAACCAGTTGACCA  
AAGATGTAGCGATTAAGATGTACAAAGATATGATTACTCTTCAAATAATGGACAACATATTCTACGAAGCACA  
AAGGCAAGGAAGAATCTCATTTTACTTAACTTCGTCTGGAGAAGAAGCCATCGCCGTTGCTTCTGCAGCCGCA  
CTTCTTCCCGACGACGTTGTTTTGGCTCAGTACAGGGAGCCTGGTGTGTTATTATGGC

>trans\_c\_5329 NM\_101362|Arabidopsis thaliana major latex protein-related / MLP-related  
(AT1G14930) mRNA, complete cds

TGTGTTTGGTACCGGGAATCGGCCATTACGGCCGGGGGGGAGAGTTATATCTTTAAAAGAAATCATGTCTTGT  
GTTAAAAAAATTTTCGAGCCAGTAGAAATGAATATAGATTGCGAGAAATACTATTATTTTCATGAAAAATACTG  
TTTATCATATTCCTAATATTACTTCAACCATTCAAAACGTATCAGTTCATGAAGGTGATTGGGACAAAAGCAGT  
CATGAGTCCATAAAAGTATGGAACACATCGATGGCAAAGCTGAGGTTTTGAAAGAACGACCGGAATTC  
GACGACGAAAAGCATCTGTTTAGTTTCACTGCGATCGAAGGAGATGTGTTAGAGAAATATAAAAGCTTGAAG  
ATCAGTCATCATCCCGTCCAGAAGGGTCCTAAACAATGTGTGGTTTACATATCTATAGAATATGAAAAATATAA  
TCCTACCACACCCGATCCATACAATTACCTTCAATTCATTACTAAATTTATTAAGGATGCGGAGGCCTATCTTAT  
TCATAATTAGGACAAAATAAATGGTTTAATTAATTATGTTCTGCTTTTCGGTAACAAAAATAAATCACTCTCCC  
ATCCTTCTATAAAATAGATATACATGGNAACTCCATGGTTATGTTTGCCTTCTTTTCTATTTTTT

>trans\_c\_5330 AY103570|Zea mays PCO088401 mRNA sequence

TCAGACTCGTCAACATGGGTATCTCTCGAGATTCTATGCACAAGAGGCGTGCCACTGGAGGAAAGAAGAAGG  
CTTGGAGGAAGAAGAGAAAGTATGAGCTTGGAAGGCAACCTGCCAACCTAAGTTATCAAGTGACAAGTCAA  
TCAGGAGGATTCGAGTTCGTGGGGGTAATGTGAAGTGGCGAGCTTTAGACTTGATACGGGAAACTACTCAT  
GGGGTAGTGAGGAGTGACTAGGAAAACCCGATTCTAGATGTGGTGTACAATGCATCGAACAATGAACTTG  
TTCGCACTCAAACCTTAGTGAAGAGTGCCATTGTTGAGGTTGATGCCGCACCATTCAAGCAATGGTATCTTCAG  
CACTACGGAGTGGATATTGGAAGGAAGAAGAGACTGCAGCATCTACTAAGAAGGACGAGGAAGGTGATGC  
TGCTGCTGCTGAGGAGGTGAAGAAGAGTAACCACGTTTCAGCGTAACTGGAGAAACGGCAAGAGGGTTCGTA  
AGCTCGACCCACATATTGAAGAGCAATTCAGCAGTGGTCGTTTGATGGCTTGATTTCATCAAGACCCGGTCA

ATGTGGTCGTGCTGATGGATATATCTTGGAGGGCAAAGAACTTGAGTTCTACATGAAGAAGCTCCAGAGAAA  
GAAGG

>trans\_c\_5331 BT010772|Arabidopsis thaliana At4g33960 mRNA, complete cds

AGAGAAGAAGAAGAAGACGACGACTAACAAACATTTCTCGAGAAAGAAAAAGAAAAAAAAAAAAAGAACGACG  
CGGAAAATTGAGAGAAGCAGAGAAAATCGTTTCGAAATTTCTCGATCTCAAAGAAACTCGAATTCGAAAGCA  
CCGATTTTCCCGTTCTTCAATCCGGCGGAGATGGGGATTAGAGATTAGAACTTTGTTTGGAGCTTCTGCGAA  
TGGCTATCAATTTGTCGTGGTCGTTGCCGAATCCGTCGGCGACGTTATCCACCGGGAATGTCAACCGCAAGC  
TCTGCCGACGGCGGGCGGTAGGGTTCCGGTTCTTTTGTGCGGCTTTACCCCTAAATTCATCTCCGCTGCCGT  
CCGCGGCGGCGATGTGGCGATGTTCTGTCGAAGTTAGTGTGAATTTGTTTTTTTTTAGTAATATTGTAATTG  
ATCTCTTGAAATAATCCAATTATCTTCTTTCTTTAGTACGAAATTATTCTCTCTCTCTCTCTTTTGGATTA  
GTACGAAATTATGAAATTGTTATTTGGTTGTAATTTGTTGGTTTTATCGTCATTTTGACGCCGGACCTTCTGACC  
AACAATAATTCAGGAACTTGGAGTCGCACTTTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5332 NM\_102177|Arabidopsis thaliana MAK16 protein-related (AT1G23280) mRNA,  
complete cds

AACGCACTTACACACACATACACTTCCATTTTTATTTTATATTTTCACTATTTAATCTCTTCTTCTAAACCTAT  
TTTCTCCTTCTACGGTTAAAAACCCCGCCGCCGCGTATCCTTCTTCCCGACGGCGTCTTAGCTCCTGCTGT  
TTCACGCCGCTCTCTCCGCTTCCGACGAGATACAGTTACTTATCTATTGCCTTCTTCTCAGAAACAGTGTTGA  
CCCCCTAAACCCTAGGGTTGAAACAGGGGTAGAATATTCAACTGAGCACAACCTTTCTTCTCCATCATTTCATA  
AGTTTCTTAGCAAAAGATGCAGCACGACGAGGTAATATGGCAGGTCATCCGCCACAATCATTGCAGTTTCATG  
GCCAAGATTACGACTGGGAAATTCTGTAGAAACCTTATAATGTAAGTGGGATATGTAATCGGAGTTCATGTC  
CTTTGGCTAACAGTCGCTATGCTACTATTCGTGACCATGATGGGGTTTTCTATCTATATATGAAAATAATTGAA  
AGAGCTCATAAGCCAAATGAGTTGTGGGAAAGAGTTAAGTTGCCAGAAATTACAAAAAGGCACTGGAACCT  
ATAGATAAACATCTGATGTATTGGCCTAAGATACTTGTAACAAGACAAAGCAACGATTG

>trans\_c\_5333 EU350954|Jacaranda mimosifolia nectar protein 1 mRNA, partial cds

ATGGAAGAACTGTGTTCAAAGGATAAACTCAGCCAATCAAATATTCAATGCTGGCCTGAAATCATTAGTTGA  
TCAATTCAACAACAATCAAGCTGATGCAAAATTTATCTACATCGATTCTTTTGGCATTTCGAAGATGTCATTGA  
CAATCCATCAGCCTTCGGTTTTAGGGTTGTCAATACTGGGTGTTGTGGAGTAGGAAGAAACAATGGCCAAATT  
ACATGTCTACCATTTCAAACGCCGTGCTCAACAGGGATGAGTATCTATTTGGGATGCATTTTCATCCAACGGA  
AGCAGGGAACACGGTCGTAGGTCGGAGAGCTTACAGTGCTCAACGACCAACTGATGCATACCCGGTCGATAT  
TCGTCGTCTCGCACAACCTCTAACAGTGTTTGGGGTATTATGTTATGGATTTTATAGTAAGTTAAAGGGTTTA  
TATATAAAATTTATAACATATATACACTTCTTTTCATTAGGATTTTTTTTTTTAATTATTGTTTCATTGAGT  
TTGGGTGTTTCTGTCTTTTGGTGTCTGTATTATTGTATTGTAATTGCTGTCTACAATTGCTAGTAATTAATTAATTG  
TGTCTTTTCTAATGTTTCCATGTAAAGAGCAAATTATCGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5334 Novel Gene

GGTTGGCCAAAATCGCCGAATTATATGAATCTTCATTTTTTTCTTAGAACTCGCTGACATTTTCAACATCGTCA  
ACCTTTGCCGTCGATCTGATCCCTACAATTGCCGGTATTCTGGATCTTCTTGCCGGTCGATCTACCCGGCTTG  
AGTCATAGCATGGCTTCAGCCAATGGCAAGGGAAATGTGATCAATGATGTTGAAGCAAAAGGATTCAATCCA  
GCACTAATAGTACTTCTTCTGTTGGTGGGTGCTGTTGACTTTCCTAGTAGGGAACCTATGCACTTTACTTGTAT  
GCACAGAAGAATCTCCCTCCCAAGAAGAAAAAGCCAGTGTCAAAAAGAAAGATGAAGAGGGAAAGACTGAA  
GCAAGGAGTGTCTGCACCTGGAGAGTAAAAAACAGAAAAAGAAATGATAAAAAAAAAAAAAATTTAACTTC

CCGAGGTTTCCTTCTCTGTAGAACGTTTTGTTTTCAAAGTTTTCTACATAGACTGCCTAGAAAGTTGTTTAA  
CAGTTTTATTTATTTTATCTGCTGTCTTAGAACTCTTCAGAAATGGAAGTTGATTTGTGAGTTTTAAACCCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5335 XM\_002323449|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,  
ABC transporter family, mRNA

AGAGGAGTTCAACTATCAGGTGGACAGAAACAAAGAATTGCAATTGCCCGCGCATTGATCAGGAAGGCAGAG  
GCTTATGCTATTGGACGAGGCAACAAGTGCACTTGATGCCGAGTCCGAGCGATCAGTCCAGGAGGCGCTCGA  
CCGAGCTTGTTTCAGGAAAAACCACAATCGTAGTTGCCCATCGACTATCAACTATCAGGAATGCTCATGTCAATTG  
CAGTAATTGATGATGGCAAAGTTCCGAACAGGGATCACACTCACATTTGTTGAAAAATTACCCTGATGGGTG  
TTACGCCAGGATGATTCAATTACAAAGATTCACACACAGCCAAGTCATTGGTATGACATCGGGTTCAACTTCCT  
CAGCAAGAACTAGAGAGGATGAGGAGAGAGATAGCTAGGAAATGGGACCTTTGTAGTTAAAAAAGAAAGG  
AAAAGAAGAAACAAACACACAAAAGCCCTTATACCCTTTATTAATTCTTTTGGGTTTTGTGCATTTTCTATCCAT  
GAAGTATATTAAGTGTATTGTCTTCATCTCCTTCTCTTTTTGCCTTTTTTTTAGAGAGAGAAAAAAATTAGTCT  
TAAATCTGTCTTAAATATATCAATTTTAAATCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5336 AY057579|Arabidopsis thaliana At3g02090 mRNA sequence

TTGCAAAGCCTGACTGCTTGGATGATTTGGCTTATGCAATAATGTACGAGACAACCAAGTTAGCTTACCGAGT  
TTCAGAAGCTGATGTTACCCGTGCGCGCAATCAGTTGAAATCTTCTATTGCTTCACATTGATGGAACAAGCC  
CAGTAGCTGAAGATATTGGTCGTCAGCTGCTTACGTACGGCCGTAGAATTCCGTTTGCCGAATTGTTTGCAAG  
AATTGATGCTGTTGATGCAAGCACTATAAAACGTGTTGCAAATCGGTTTATTTATGATAGGGATATTGCAATTG  
CGGCATTGGGTCCCATCCAGGGTTTACCCGACTACAATTGGTTCAGACGTAGGACATACTGGAACCGTTATTA  
GATGATACCCATATCGTTACTATGTTATTCTTGTTACATTGAGCAGCAGTGTCTCGAAAATAATCTTCCTTG  
CCAAAAAAATTACATCTTCATCCAGAGAATCTCAGGCGGATGAGTTATTTTTATTTGCCAGTTTTTGTTAAAGT  
GTCATACAAAGGAATAAGAGTTTGTATCTTCTGTCCAGGTGTGATAACTATGGCATTCCCATGTCCCAATCT  
TTGACATTTACGCTGAAATTTTATTTAATCATTTTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5337 AJ344107|Lupinus albus mRNA for ATP citrate lyase a-subunit (acla gene)

AGGATAAAGAGAGGAGACAATAGAGACAAGAGAGTGGAGCTGCTACAGCGATTTGCAAGAACACATTTCCC  
AACAGTGAAGTACATGGAATATGCCGTGGAGGTTGAACTTACACACTCTCAAAGGCAAACAACCTGGTTCTT  
AATGTGGATGGTGCAATTGGTTCTTTTCTTGATCTTCTGCTGGCAGTGGAATGTTGAGCAAAACAAGAGAT  
TGATGAGATCGTCCAAATTGGTTATTTGAACGGCCTCTTTGTCCTTGCTCGCTCCATTGGTCTCATCGGACATAC  
ATTTGATCAGAAGAGATTGAAACAGCCTCTATACCGCCATCCTTGGGAAGATGTCCTCTACACCAAATGATAA  
GGACTTTTATACACATAAGACCCGGCCAAACCTCAATTTCAAATTTTGTAAAATTATTATCACTACGGATACT  
GTTGTTTGTTCCTTTCTTCTTTTTTTTTTTTTTCCCTTTCCATTTTCTTCATTGCCCTTTCTAGATCAACGT  
ATGTGTCATGCCTTGCTCTTTAGTTTTCTAACTGTAATTCATAAGAAAAGGATTGTAGTGTTTTATTCATAAAA  
TAAATCGTCTCCGTACATTTATTCGTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5338 Novel Gene

ATTACTCACATTACTCCATTTCCATCATAATTATATCTTTGCAATTCACACCTCCATCCTACGATCTTGATTATTC  
CGGCGTTTCCTTGTTGATTTTCCGTCATGAGCCAATATCGCAACCAAGAAATTGACATGGGTATCCGGCGCCA  
CCACCGTCGTATGCGGCGGGGGAGCAAGCGAAAGAGGGGAAGTCGGGGCCTTATGTTGCAGCTCCGCTCC  
GGTTGGATATCCGGTGAGAGACGGGCCACAGTACCCTACCAAACAAATTTGGACGCCCAAACCTCAATCTCGA  
GGAGATGGGTCTGGAAAGGATGCTGTGCTGCATTGTGTTGCTGCTGGGTATTGGATTGCATCTTCTGATCAG



GATGCTGAGTTAGGTACCACTTGTAGGCGGTTGGTTTTGGTTGAGATGAGACCCGGTTTTTTCAGTTTTAATTA  
GTTTAGTTTTGCTCTATTTGTTATTCTTTTATTATGTATTGTATATTATTATTTTTATGTTGTTTATGTGTATCGCC  
CCTCTTGTCTTTTTGGGCTTTGTATTTTCATCTTTATCCATTCTCATTCTTTTTTTTTTATCAATAAATACATAT  
TTTCTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5339 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

CCACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAACGCATATCAGAAACGCGGATACATGAATCTAGG  
AACTTTTGCTTGCATTGTATCATTTGGTCTACGTACCGGAAGTATAACATTCGAGATTATGCAGGATTATACA  
TAAAAGATCCTCTTTTGGCTCTCTCTTAGCCCTATGTCTCTTATCCTTAGGAGGTCTTCTCCACTAGCAGGTTT  
TTTCGGAAGAACTTTATTTATTCTGGTGTGGATGGCAGGCAGGCCTATATTTCTGGTTTCAATAGGACTACTTA  
CGAGCGTTGTTTCTATCTACTATTATCTATAAATAATCATCAATAATTAGACTGGACGAAACCAAGAAATAACC  
CCTCACGTGCGAACGGCGTCTTCTAGAGAGGGCAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTG  
TGATAGCATCTACTATACTAGGAATATCAATGAACCCGATTATTGAAATTGCTCAGGATACCCTTTTTTAGTTTA  
GCTTCTAGAATCTATTTCTTAGTTCAAGATCCCTCTTACTAACTGGAATCAAAGAATTAGTAGATCTGTTCCGCC  
CAATTACCCTTACCCGATCCCAATACTTGAATATATTTATTTAACATTGAGTTAAGA

>trans\_c\_5340 EU325990|Oryza sativa Japonica Group cultivar Wuyujing 3 chloroplast 23 kDa  
polypeptide of photosystem II mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

TGGAAAGCTTTACATTTGCAAGGCACAAGCAGGAGACAAGAGGTGGTTTAAAGGAGCAAGGAAGTTTGTGG  
AGGGTGCAGCTAGTTCTTTCACTGTTGCTTAAAGAAGGGAGAAAGCAGTGTGTTTATTAGTAATGTGAGAG  
AGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGTGTTTGTGTATATTTTGGAGAACATTACCTTAACCAATGAAAGGGATT  
GTCAATGTGTTGTGTTGAGATGTTTCATGGCCTTTATTTTTTGGTTCTCCATAAAATTATTCAAGGGTTGGGTGA  
ATGAAGCTTTTAGAAGGAAGGAGATATTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCCCCCCAAAATTT  
TTTCTACCCCCGCCCCCGGGGGGGGGCCCCCGCCCCAATTCCCCCAAAGGGGGGCTTTAACCCCCCCCCCT  
CGTACCCTTTTTTCCACCCCGGGGGGGGAAAACCCCGTTTCCCCCCTATTATTCCTCCTGGCCCCCCCC

>trans\_c\_5341 NM\_001052725|Oryza sativa Japonica Group Os02g0196000 (Os02g0196000)  
mRNA, complete cds

GATACAGCAAGAACAAGGTAACCAAAACCAAGCAAAAAGTACCCAACCTTCTTGGACTACTTTGCTAAACCA  
TCTCTTCTTTTCGCCATAAAGATTCTCTCCAAAACCCATCCAAAGAAGAAAAAAGATTTTTAGATTTGCTTCAA  
TAGCAGCGGCAAGTTCCTCGCTGCTTGCAGAATTTGGCAGCTCCTTCAACGTTATTTCTGAATTTCGAAGGT  
TTAAAGCCCTCGAATCGGTTTGGGGGTTTATTGCTGTGATTACCGACGCCTTTGAATTCAGGATACAACCTCT  
ACAAAACCTTACATGGCTTCGCAGGTGTTGGAAGCTTTGGCACTTTTCGCTTGTGGGTGGATTCACTACTTCTCTA  
GGTGCATTTTTGTGGTTCTCAGTGGGGCTCAAATTTGAAGATGCTTGGTCTTTACAGGGATTGCTGCAGG  
CTGAATGTTGAGCATTTTCGTTCTGATTAGCTCATAATGCTATTAACCTCAATTGGATTCTTAAAGGAAATCT  
TTGGTTTTTGTGTTGTAATTTCTTTGCTTTGTTGCTCACTTTATCCAGAACCCACTTTGGTCTCTGTTTCA  
GATACAAACGTAGGAAGGACAAGGACGAAGGTGGGCAGGATTAATGAAAAAGCAT

>trans\_c\_5342 Novel Gene

AGCACTCACTTTTCGCTCGCTTTTAAAGAAATCCCATCTTCGATAAACTCCAAATTCCTTCGTTATATTTAGCAAT  
GGCGCCAAAGGCCGAGAAGAAGCCCGCCGAGAAGAAGCCAGCGCGGAGGAGAAGAAGGCCGAGAAAGC  
TCCGGCGGAGAAGAAGCCAAGAGCCGAGAAGAAGCTTCCCAAAGACGCCTCCGATAAGAAAAAAGAGAG

CCAAGAAGAGCATTGAGACTTACAAGATCTACATCTTCAAAGTTCTCAAGCAAGTTCATCCTGATATCGGAATC  
TCCAGTAAAGCCATGGGGATTATGAACAGCTTCATCAACGACATTTTTGAGAAGCTCGCTCAGGAATCCTCAA  
AGCTCGCTCGCTACAACAAGAAGCCGACTATCACCTCTCGGGAGATCCAAACGGCGGTGCGCCTTGTTCTTCC  
TGGTGAGCTGGCTAAACACGCCGTCTCTGAGGGTACCAAGGCCGTTACTAAGTTCACTAGCTCTTAGATTGAT  
AGATTTTAGGGGTTTCTCGTGTA AAAATGCAGGATGACTGTTCTGGATCGTTGATTTCTTTGCTTGTTGCATAT  
TTTGAATTGAATGAATGAAAGTCGGTTTACATAACCTGGATTCTTTAGTCAATTGCTTGATTATGTT

>trans\_c\_5343 XM\_002869488|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nuclear movement family protein,  
mRNA

CCTCATTCAACTGGGCCGATCTTTTCGAGCCATTTTAGCAGTTCCTTCCTTTGTGCGCCATGGCGATTATCTC  
CGACTACGAAGAGAAGGAAGAAATCCCAAAGCCAAAGAGGCCTTCATCTTCCTCCTCTCCATCTTCTTCTTCAT  
CAGCTAAGCCTTCTCAATTCAATGCCAACTTTGACCCTTCAAACCTCTAGGGTTTTTGGAGAAGGTGTTTCGAT  
TTTCTTGCCAATGAGACCGATTTTCTCTCCAACGATAGAGTCGAGAAGGACATTGAGACGGTTGTGCGCAGAG  
CTGTGGAGAAGAGAAAGAAGCATGAGGAGTCACTTGAGCTTAAAGGTAAGGCTGAAAAGAGGATTAAGGAG  
GAGGTGAAGAGTGTTAAGCAGGAAGCTGCGCCGGCGAAGGCTGTTGCATCGCCGCCGGAAGAGAAAAGTGG  
GTGAGAAGTTGGAGGAAGTTACCGAGGAGAAGAAAGAGGACAACGGGCCAAGAGTCCCCAACAAAGGTAA  
TGGTCTTGATATGGACAACTACTCTTGACACAGTCTCTCCAAGAAGTCAATGTTAATGTACCTGTACCAAAAAG  
GAACTAAGTCCAGGTTCTGGTTTGTGAGATCAAGAAGAATCGTCTCAAAGTTGGACTAAAGGGGGCAAC

>trans\_c\_5344 NM\_179213|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, 2OG-Fe(II) oxygenase family  
protein (AT4G16765) mRNA, complete cds

GCAGCAAATAGAATCTGAAAGGTCACCTTCAGGCGCTGGATACTCTCAAGTCCATTTAGGAGGGTCAGACGA  
TCTATATGCTAGAGATAGAACAGTTATCGATATGGATTATGAGGATGATCTAGATTTTGATGATGACGAAAAG  
ACAGCCCTTTATCGTCAGTTGACATTTTCAAATTTTGTCCAACAATAGCCTTCCAATGGGATGTACTCTGTTGTC  
TAGCTCCTCGACTCGCTGAGAGATCAGAAAAGTGA TCTCCATTCCACATATTGGACTTCAAACCTTGATGGTTGG  
AAAGTATTATAATTTTGACTTGAGTTCTCTAAAATTCAA AACTACAGATGAAATATTCTTTAAAGAATTA AAA  
TGAGTAGATATGTAGTTTATCTTGTCGTCTTCTG CAGAGTTGTAGATTGTCATATGAACCTCTGCTATTTTAA  
CATGTATATGTTCAACTACATGTGTTGTACAGTGGAATCAA AACTCGTATTTTATTGTAATAGGAACCATTTAT  
TCCGTTTCGTAGTTACAAGGAGTCTATTAACATTTGTTGTGTACTACAAATCTTATTTTATACAATATGCTAAGA  
TAAGTAAATAGTAATCCTATTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5345 Novel Gene

ATCCAATTTCACTCCCATCTTTTCATCCATCGACTCAACATTTTCATCTTAGATTTTTTCATCCTCAAATCCTTCACT  
ATGACGCCGATTTCCGAAACCGATGCCGCCAGATGTTGTCGACGAATCGCCATGTTTCGTCTTTGTTTCAGCTTCT  
TGTCTATTTGATTCTCTCAAATCCTCCAACCTCTTCTCCAACGACCAGAAATTGAGATCTCTCAGCTTTAAACC  
GGCTCGTTCCGTCAGTATTCGCCGGTTTCTGGCTGCTCTTCTGATCTTCTCCCGGCGGTGAGCTTTCTCCGTC  
GTCTGTTTCGTCGCGGTCGTTCCGATGACGGTTGCAAGTTGTAAAGAGTCGAATCGATCGGATCGAATTGAATT  
GTTTCCGATTGACATTTTCTGGGTTAGTCATGTAAAGTGAAAAAGAGTAGGGGGTGATTTATGTTATTTGTTA  
AAAGTAGAGGGGTTGGTTTGGGTGAATTCTGATTATTTGTATTTGTTATTTGAATGATTCTTTTGTCTTTGGTA  
ATGGTAATGCAAATTATTTGACTTATTCATCCATTTAA AACTATTTTCAATCTTATTATTTTCTTGCACTTCCAC  
AAGACAAAAAAGATGATCAGAAAAACGTGGACTCAGCTCTGCTGAAGTCC

>trans\_c\_5346 NM\_099991|Arabidopsis thaliana PDH-E1 ALPHA (PYRUVATE DEHYDROGENASE E1  
ALPHA); pyruvate dehydrogenase (acetyl-transferring) (PDH-E1 ALPHA) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGCCTTTAAACTGCACATAATCATGATATTTAAACATAATATGTAAAGCA  
TTAAACAATGCTTCCATCTCCACATAACTAGATTAGTAGAGGAACGTTTGTATCATACTAAATCAAAATTG  
GGAAAAAGAAAAAGAAGAAAAAGAAAAAAACTACAGGATAACCTGAAGAAAGGAAGGAAATTCCTG  
GTTGCTTAAGAAAAAAGCTAATTTAACATTCAATTACTAATAATCAGAAAATAACCCAACAGAAACAGGAAA  
GAAACAAATTTAAATAAATAAAAAGACTTGGATAGACAACAACTTTGTGAAGTTTAGACATGTGCAGTTCC  
TTCTGTGAACCTGGGATCCTCACATCTGTACTTTCCATCAGGCCCAATTCCAAAGCCTTTAGGATCAGCAAACA  
CATTCTCTAATAACTGGCTTCTTGCTGGAAGGGGGCTTTCATCTGCAATTGAACTGCATCCTCAACCACCTCA  
ACTATCTTATCCTTTATTGCCTTAGCTCCTGTTTCATTGGCTAGTTTATTCTCCAGCAAGTACTTCTTCAAAGCTG  
CAATGGGATCTCTAGCAGCATAACGAGCCTTCTCATCAGGGTCACAGAGTTCATCAGG

>trans\_c\_5347 FJ619056|Jatropha curcas ribosomal protein L37 mRNA, complete cds

ATAGCCAAACTGCAGAGAGAATTCTTCTCCTAGGGTTTCTTCGTCCTGCATCAATGGGAAAGGGTACGGGC  
AGTTTCGGTAAGAGGAGGAACAAGACCCATACTCTCTGTGTACGGTGCGGCCGCCGAGCTTCCATCTTCAGA  
AGAGTCGTTGTGCAGCATGTGCTTTCCGGCTGCTCGAAGCGCAAATATAACTGGAGTGTGAAGGCAATTAG  
AAGAAAGACAACCTGGAACCTGGAAGGATGAGGTACTTGCGCCATGTTCCGCGTAGATTCAAGAGCGGCTTCAG  
AGAGGGTACTGAAGCTGCACCCAGGAATAAAGGAGCTGCAGCATCAGCGTAAGGTTTTGGAAGAAAGTTCA  
ATTTAATTTAGTACCCACCTATAGTTTTAGTAGGGGTTTTACTCATCTGAGAATCATTTATATAATTTTGTTT  
TTCTAGTTTTTGCTTTTTATGATTTAGTTGAACGATCGCTGTTTCTTTAAATGTATTGTTTGAATTTTGGACAA  
ACGACGAATCAGATTGTTTCGTATTCTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAGGGGAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5348 NM\_127954|Arabidopsis thaliana SNRNP-G (PROBABLE SMALL NUCLEAR  
RIBONUCLEOPROTEIN G) (SNRNP-G) mRNA, complete cds

ACTCGCTGTGACCTTCTTCTCGATTAATTAGGGTTTTTCCATCTCTCTGACCTCTGTTCTGTAGAAACCTCTTCA  
CAGCTCTTTCTTTCTTCCACCATGAGTAGGTGAGGACAGCCTCCGGATCTCAAAAATATATGGACAAAAA  
GCTTCAGATAAACTCAATGCTAATCGCTTGGTAATTGGAACCTCTCGAGGCTTTGACCAATTTATGAATCTAG  
TGTTGACAACACAGTGGAAGTGAATGGCAACGAGAAAACTGATATTGGCATGGTGGTGATTAGAGGAAAT  
AGTGTGGTCACTGTTGAAGCACTTGAACCTGTAAACAGGATGCAGTGATTGCGAACTTGAAGTTGGTTTGAT  
TCTTGCTGCAGATCTGTTAATAGATCGAGTGATAAACATTGGAATGTTAATGTATAATTTTGGGATGTTATG  
GATTTTAGTTGGAATCTTGTACTCCATCATTCTGGACAGCCAGGATTATAATTCAGCAGTGGGGTTTCTGTA  
TTATTCTGGGAAAAAGAGATTCATTGCATTGGGTAAGATTTTTCTCACGAAACATTACATTCTCTCTACCAA  
AGCACCAAGATCCAAATTCTATTTGTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5349 Novel Gene

TGCCATGAACACAATACAAATTTGGTTTCTACCTTCGAGTCAACCCACCAAATTGTGGATTGGATTTTTGTCTG  
TTTTGGCAGAACACAGAGAGACCTGAGTGAATCATTTGAACAAGGGAACCTTGCTTCATGGATCTCATAAATCT  
TCGAGCGGTACAATTCCAGACAACCTGACAAAAACAATGCAAACCTTCTGAGGATAACACTAGCAAAGCTGAAC  
TAATGGATGCACTGCTACATTCACAAACCCGCGCTAGGGAAGCTGAGATTGCCGCAAAGCGAGCTTATGCCG  
AGAAGGAGCATATAGTTGAGCTTTTCTTCAGACAAGCAACCCAACCTTTGCATATAAGCAGTGGTTTCAACTG  
CTGCAGCTAGAAAGCCTGCAGATAAAGAACAGCAATCAGCCGATGTCCACTCTTTTTCTTTGGTTCTTCCATG  
GAAGTCGTACAAGAATATGGTGTCTCAGAAGCGGCGGAGAGTCACTGGGCAGAAAAGAGTCGAGCAGGATC  
GGCATAAAAGTGATATTTCTACTTATGCTGTTGCTTTTCTAGGATTGAGCCTGGTCAGTGCAGGTTTTCTTC  
TGGGATGGACTGTAGGATGGATGCTTCCTTTCTAGGCTTAGTTGGATGAACCTCTCT

>trans\_c\_5350 FJ090496|Pinus taeda isolate 5433 anonymous locus 2\_1728\_01 genomic sequence

ACTTCCAACAGTAGTTACACATTCAAACAAATTTTCATAGATCATTCATAACATCAACAAGCAGAATCTGAGATA  
TTTCAGAAACTATAAGCTAATTTAAACAACGAAGAGTGGAAGAAAAGCTACCATCCAAAAACGACTCGAGAG  
CATCTTTTCCTTAAGCCATCGGAAGCTTTTTCTTAGAGACCTTTAACTTTGCCTTCCACAGTATAAACTTTATAGC  
TAGCAACTCTCCTCTTTCTCTGCATCTCCGGATCGTTGAAACTCCAACCTTTGGATGAAAATCCATTCGTCGATT  
TTCCTTTCTTGAGCTTCAAATCATTACCCATCTGGGTTCGACTTGGATTTGCAGAAGAAGCATAGGAAGCACTG  
TAACAACGAAAATCTTGCATACCCATTACGCCAGAACCATTGGGTGTTCTTGATTTCGTTCCATGGTAGGTTTG  
AATCTGCATTCTCCCATCTGGGTATGATTTGGAGTTGAAATCGTTGAAATCGTCCATTGTATTGACTCAGGATC  
GTGAGACTTTGGTATGTTTGTTCAAAAATTCAGCACATGGAAGTGGAGGAGTGAAACCCTCCTTAAGGATGTT  
CTTCTCAAAAAGGGATCGAAAATCAAATGGAACCCTCGAGGGAGCTCTGAGCTTAC

>trans\_c\_5351 DQ836316|Prunus dulcis 60S acidic ribosomal protein mRNA, complete cds

TTTACAGAACCTAACTAACTCTCTCTTTCTCTATCTTCCGTTTCCGATTTGCACTCTGCAAAGAACGATGAAG  
ATCGTTGCTGCCTATTTACTCGCCGTTTTGGGAGGCAACACCAGCCCTTCAGCTAAAGATTTGAAGGATATTCT  
CGGATCTGTTGGAGCTGAAATTGATGAGGAAAGAATTGAGCTTCTGCTCTCTAATGTTAAGGGTAAGGACGTT  
ACAGAGCTCATTGCATCCGGAAGAGAAAAAGCTAGCATCTGTTCTTCTGGTGGAGGTGCTGCTGTGGCAGTTG  
CTGCCGGAGGAGGTGGTGGTGGTGCAGCTGCCCTGCTCCAGCTGAAGCAAAGAAAGAGGAGAAGGTTGAA  
GAGAAGGAAGAATCAGACGATGATATGGGCTTCAGTCTTTTCGATTAAGTATAATAACAAAGTTGAATGTTCA  
GAGATTCTTCAAGATTTTAGATTTTGAATTTTTGTTTTTTCACATGTAGTGTTTTAACATTATCGTGGTGTATG  
ATGAGCCTAATGCTGTACTTTTATTTAATTAATGAAGTTTCGTCGTAATTTTGGATGCTCTAAAACCATCTGT  
TTTATATGAGAAAAAATGGAATTGCCGCCAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5352 Y10821|Solanum tuberosum mRNA for plastidic ATP/ADP-transporter

TTTGACGAGGATACCAAGGTTAAAGGGAAGGCTGCCATTGATGTTGTTTGCAACCCGTTGGGGAAGTCTGG  
AGGTGCTCTCATTCAACAGTTCATGATCTTGACATTTGGATCTTTGCAAACCTCGACTCCATACCTCGGAGGTG  
TCCTGTTGGTTATTGCGCTGGCATGGTTAGGAGCAGCTAGATCGTTAGACAGCCAATTCAGTGCCTGCGTCG  
GGAAGAAGAGCTCGAGAAGGAGTTGGAAAGATCAGCCGTGAAGATCCCAGTCGTGTCGAGAACGACGGTG  
ACAATGGCTCCCTTGCGAGTCGCTCGCCTTTGAACCCGACAACAGGTGATTCTGCAAGCAGTTCATCTGAAAC  
CTCAGCACCCACAAATGCTTAGGTTTGTGTTTTCAATTGCTAATTCAAACAAACATGGAGAATTTGGTTTGTG  
GCTTAGAATTTTGTCTTAGTTTTATAGAAATAAAAGTAGCCAAAGACAGAATGTGATCTGACTTTTTCCAGAAT  
ATCTTTTTCTTTCTCAATATAAATTCAATGGCGCTTGACCGTATTGGTAATCGCATTTTATATATAATGGTGGT  
GAATCCCCCAGTTTTATTGTAATTCTATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5353 XM\_002308374|Populus trichocarpa stress-induced hydrophobic peptide, mRNA

TTCCTTGTTTATTTTTTCCATTTCTTAACCCATTTGGGAGTCTGCCATACCTAACCTACCCTCCTCTCCTCGTC  
TCGTTTTTCTGAATTTGCTCAGACCGCCATTAAACATGCCATCTCGCTGTGAAATCTTCTGCGAGATTCTCATT  
GCTATCTTGATTCTCCTTTGGGCGTCTGTCTCCGGCATGGATGTTGTACCGTTGAGTTTTGTATATGCCTTCTG  
TTGACGTTTCTCGGTTATGTTCTGGAATTATCTACGCTTTGTATGCCATCGTTTTTCATCGATCGCGATGAGTAC  
TTCGATGAATACAGACGTCCTCTGTATGCGCCGGCCTAGATTCCATAGGTATTTTCGTTTTATATCATTTCTTGT  
GCTGTAATTATTCCGAATTCATCTGTTTGCATTGGATCTGTGTATCGTGTATTGCGTTCTGTTTCTGCTAAA  
ACCTTGATTTTCTTGCTAACTTCATCCTGATGGAGTAACCAATTAATCGATGTTGTTAATGGAACGACTACTAT  
TTGCTTGTTCAATTTTCTACTAGGAATTTAGGGATTATGATAGAAAGAAAACTATAAACAGTTGAGTTAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5354 AY389696|Hyacinthus orientalis sucrose phosphate synthase mRNA, partial cds

TGCAACAGGTTGGAATGTGGTTGGATCTGAAAGATAGATTGATGGTTGGTGGTGGATCATGATTAAGTGGC  
GAGGGAATGAAGTAGTCCATGTTACTGAAAATGGTATGCGCAGTGAAGTATCCTCGACCGATTGCTTCTTGCC  
ACATATTTCTGTGATTGAGGCTCTTCCGAAGTATTTCTAAACAGTTGTGTTGGAAAAAATTGCCTAAAGAGA  
AGGGTGAGAATTATCTTGCTCTGACTGGACCAATTCCTGAATTGCACTCCTGGTCTGCTGTTGTTCCAGAGCCA  
TTAAGAGAGAGTGTGAAGGAGTGGAGGCCGTATGAGCGCCTTTCATGATCTACAACATGCTCTTTGAGATTG  
ATGGTTGAAGGTGATTTCAGAATTTATGACGAACACTAACCATGTTCTTAAATATCCTTGAGCTTTTGAGTT  
GTTTCGTATAATATGTTGCTGCTCCCAATTTCAATTTGTCATTTGTCGTTACGTTAGTTTTGGTCATATCAATAAG  
CTATTATTGTGTATGTATGGGGTATGAGTAGCATTGAAAAAGTTGGATTGATCTTTTGATTCTGATAGCTATT  
GTTAATCTCCTTCATAACCTCATTATATCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5355 Novel Gene

AAACACATACATGATGATACCTGATTAATTGTTATAGTACTTTTCTTAAGTTAGGTATCTAAGAACAGGCTGATT  
TTAAAAAATAATAATAAAAAAGTAGAAGGTGAAAATTGGAGTATGAAGTTGCGAAGAGGGACAAGGTG  
TGAATAATGATTTAGATAGGAAGAGAGTAAGAACAATGATATAATTGCTTCGAGAGTTTTTTCTTTACTTATT  
TTGATTGTTCTATTATTATTTCTATATTTGTTTTGGATCGCTAAATTTAAGTGGACTTCAAATTAATTGGTG  
TGGGTTGGACTTCTTGAGTGTTGAGCTTAAATTTGAAAAAAACAGTCCCAACGCAGCCCTTGATGACAGACA  
TGTTAATTGGTCGAAAATTTCTATCACGCATTGGCCCATACGTACCTCCCGTAGTTTATTATCACTCCATTTGT  
CATTAGGTACTCGCTTAGGCTCTCCACCGTTTCTTAAATTAATTTCATATGTTAAGAATTACACCTTTTGGTT  
AAATTGGTTGTTGGTACTCATTTTTTTCATAGGCTTTTGAAATGAGCTACACCCTTGGAGTTCCACCAGGTTAAT  
TATTTCCCTTCACTGCCTTGAGCTTGAATAGCTTCAAGTAGTTTTTGGTCTCG

>trans\_c\_5356 AY128291|Arabidopsis thaliana At1g31850/68069\_m00154 mRNA, complete cds

ACCGCAGAAGGCCATAGATGTGAGATGAAGTATGTGCTTTTGAGATGGATCGAATCCTGCGTCCAAATGGG  
TACGCGATAATTCGAGAGTCTAGCTACTACGCAGATGCAGTAGCCTCAATGGCTAAAGGGATGAGATGGGGA  
TGTCGTAAGGAAGAAACCGAATACAGTACCGAAAAAGAGAAGATATTGATTTGCCAGAAGAAGCTTTGGTAC  
TCTTCTAACCGGAAATCAAGATGACAGACAGGAGAAAAATAAGCTGGCCAGCCAAATCCAGGTACTTATACTT  
TCAGAATCAAAGCGAAGCAAGTTCGATAGAAGCACAAAGAGATTAGTTTACTTTTACAAAATACTGGGGAAA  
CTACAATATTTCTCCTCGAATATCTTCGACGATTAAGAATTGGGTGTCAAATAGTTTGGTTATATTTATTTTAC  
AGGGCCTCTTTCATATAGATATATTCTTTTGCAAGGGAGCAAATTGTATGTCAAATTTTCACTTTTTTCTGTA  
TCTTTTCTGTTCAATACTACTTTTTGTCGTCTACATTGAAGTAATTGATGGGTTGTTGAGATATCAAGGTATGG  
GCTAGAAGGTTTCAAACCTACAAGTCCCATTCTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5357 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATAGTAATTCATCTTCTTAACAATAGGGCCCGGAGACTTCTTGGTTCA  
TCATGCTATTGCTTTAGGTTTACATACAACCTACATTGATCTTAGTAAAAGGTGCTTTAGATGCACGTGGTTCCA  
AATTAATGCCGGATAAAAAGGATTTTGTTATAGTTTTCTTGCGACGGTCCGGGACGAGGTGGTACTTGTGA  
TATTTGGGCTTGGGACGCCTTTTATTTGGCAGTTTTCTGGATGTTAAATACCATTGGATGGGTTACTTTTTATTG  
GCACTGGAAGCACATCATTATGGCAGGGTAACGTTTCACAATTTAATGAATCTTCCACTTATTTGATGGGAT  
GGTTAAGAGATTATCTATGGTTAACTCTTCACAACCTATCAATGGATATAATCCTTTTGGTATGAATAGTTTAT  
CAGTCTGGGCATGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTGGGCTACTGGCTTTATGTTCTTAATTTCTGGCGCG

GATATTGGCAAGAATTGATTGAAACCCCGATGCAAATCTGTAGGTATGTGTTCCCAATCGTAAACCCGAACCT  
GGGTGATCTATCCATGACCAGGATGAAGCTTGGGTGAACTAAGTGGAGGTCCGA

>trans\_c\_5358 AF494289|Arabidopsis thaliana cephalopod (CPH) mRNA, complete cds

TGCAAAATTCAGCTATACTTCAATTACTGGGTGAACAACAATAGCTATCAGATTACTAGAGGAGAGGAACTA  
AATCGCATTGCAAAATTGGATAAGACTTGCAACTTTGTCAAGGGCGACTTTATGAAAATGCCGTTTGATGATA  
ATACATTTGATGCAATATATGCAATCGAAGCCACTTGTACGCTCCAGACCCTTATGGCTGCTTCAAGGAGATC  
TACAGAGTACTAAAGCCTGGCCAACGTTTTGCTGCTTATGAATGGTGCTTGACCAACTCCTTCGATCCAAATAA  
CCAAGATCACCAAAAAATAAAGGCTGAAATTGAGATTGGCAGTGGGCTTCCAGATATCAAGACAATAGAAAA  
GTGCCTGGAAGCTTTGAAACAAGCAGGTTTTGAGATCATCTGGGGAAAAGACCTTACTGAAGATTCACCTGTT  
CCATGGTACTTACCATTAGATGGTGGTCAGTTCTCCATCACCACCTCCGCGCTACGGCGATTGGGCGTTGCGT  
GACAAAATATATGGTTAGAGCATTGGAGTATATTCGCCTCGCCCCGAAGGGTAGTGAAAGAGTTCAAATTTT  
CTAGAGCAAGCAGCACGAGGGCTGGTTGAGGGCGGAAGGAAGGAGGTCATGACCCCTATGT

>trans\_c\_5359 NM\_001051458|Oryza sativa Japonica Group Os01g0869000 (Os01g0869000)  
mRNA, complete cds

TAGAGAACTTTTTGCAGAATCTGAATGTGTCGCTCTGAAAATCCGTACAATTGTACTTGCAGGCCAGACTCAA  
ATAACCACTGAAGTTGCACTGGTGCTGTTGGCTTCTGCAATTATCCTCCTTATTGTTCTTTCACTATGTACTA  
TCTGTGCTAATATTTGATCTCTTACACGCGAGCTTCAGTTTCGACAGGAACTGTAAAGAGATTCATGAAATT  
CTTGAGAGAGCGTTGGGATTCTGTGCCTGCATCGCTGTAGTTGTCTTACCATTGATAATAATGAATTAAAGC  
CATCATCAACTGAACAAAAAGAAGCTGAGCAGCAACAGAAACCAAAAGCTTAGAGTAGTGTCAATTGTCTTCA  
GTGCATAAGAACTAGAATGTTAATATCTATACAAATAGGGTTTTTTTATAATGCAATTCCCTCTTGAAAGGG  
TAAAAAGAAAATCAACCGCCTTCTGGTGCTGGTAGTGCTTTCTTTGTTGGCAAATTGAAGAAAGATGGTGT  
CGATTAATATATTTAGCTCTCAAGCCCTTTTCTTGTACCTTAGGCTGTAACTCTGATTGGTATTCAATTCAC  
TCCTGGAAAACCTTACAATAAGAATCTCTCAAATTGTTGGAAGTGTAAAGAAA

>trans\_c\_5360 X76932|S.oleracea mRNA for ribosomal protein L1

CTTCCTCTTCGATTGACAGACTGAGCTCTTTCTTCCTTCATGGCAATGGCCACTTGTAATCCCACAGTTCACTCC  
TCCTTTACCATGGCCCACACTTCATCCGTACACCCACAAGACCTTCTTCCTCCTCTCTTTCAGATCAATTGCTG  
CCTCTTCCACCGCCAATATCTTCTTTATGCCTCCCTTAATTCTGCAACGCAGGGGAGGGAGGTCAACCAATT  
GGGTGACCTTAAATTTGGGAGAGAATGTAGGGATCATTTGGTTGTGGCTGCTTTAGCTGCCGAAATTGAGG  
TGGCTGAGGTTGTGGGAGAGAATGAAGAAGAGGGAAATGGTGGAACAGCTACTTCAGCTCTGCCAAGATT  
AAGAAGGGAAAGGCTGCATTACCTCTCAAAAGGGACAGAACCCGGTCAAAGAGGTTCTTGAAATTCAAAAA  
TTGAGGGAAACCAAAATGGAGTATGACCTGAAAACAGCAATATCATTGTTGAAACAAACGTCCAGCACAAAA  
TTTGCGGAAACTGCTGAAGCCCACTTCGGTTAAACATTGATCCCAAATATAATGATCAACAGCTGAGAGCAA  
CTGTAAATTTGCCAAGGGAAGTGGACAGACAGTAAAGGTAGCTGTTCTTACTCAAGGTGA

>trans\_c\_5361 NM\_001067265|Oryza sativa Japonica Group Os07g0693500 (Os07g0693500)  
mRNA, complete cds

GTTCTTCATTGCTCTTCTTGGCCCTCTCCTTCTAACGATTCACAACTTTGCATCGTTTTCTCGTACCAAACCTCA  
ATGGATGCTTATCCTTTGCACATGGCCATGGCCGCTCTGATAGGAGCCTCCGTCGTTGCTGTTCCGCGTATTA  
TATGCACCGGAAAACCTAACTCAGCTCCTGGAGTTTGCCAAGACTGTTGAGAGAGACAGAGAGCGAGATGA  
TAATAATTTGGATGTTGAGTCACCCAGGCATTCCAAGAAGCAGCGTGGAACCATGTGCGCCGGAAGGGGAC  
TGTTTATAATCGGAGAGCCTCCGCTTCGTTGCCGGATGTTACTGCTATTTCCGGTGCTGCTGATGGTGATGATA

AACGAAATGGACAGGTTCTGTTGGATGTGATTCCGGCTGGGCTCCCAAGGTTACATACACTCCCTGAAGACGG  
CGCGCTTCTATAAGGCCATGAGCTTTCTTTCCGTATTTGAGGGTCTTATTCAGTTGATTAATTCTTAGGCCAT  
GTAATCCAAGGAGTCTCTTGTGCGGTTTTTCAGAATCCAGTTCATAAATCTTGTCTTTCTAAACTTTCTGCATG  
GCTTACATAACCTGCTAACCTTGAGACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5362 HM122437|Malus x domestica ARF domain class transcription factor (ARF2) mRNA,  
complete cds

TCCAAATTCAGTAGCTACCATCAGCTACGCAGTGAGCTTGCTCACATGTTCCGGCCTTGAAGGCAAGTTGGAGG  
ACCCTTTGAGATCAGGCTGGCAGCTTGATTCTGTTGGCCGGGAAAATGACGTCCTTCTTCTTGGGGACGATCC  
CTGGCCGGAGTTTGTCAACAGCGTGTGGTGTATCAAAATACTTTCACCACAGGAAGTGAGGACATGGGCAA  
ACGCGGCCTAGAGCTCTTGAACCTGTCCCTATTCAGAGGCTCTCAAATGGCAGTTGTGATAACTACGCCAAC  
AGACAGGAGTCATCCAGAAATTTGAGTTCTGGGATAACTTCTGTCGGGTCTCTCGAGTACTGAGGCATTTAAC  
CGGTCAACATGCCTTCTCTGTACTATTATTAGCTCTCTCAGTTACTTTTTCTTGAGAATGTAAAAGCAATGTTAG  
TTTGTTAACTTGAGCTCAGATATGAGCCAAAACTGTAATTAATTAAGTGGTCCCTCTCTCCCTTCTGTTTTAT  
CATACATACAGGTATTCAGGACAGCTTTGTATGACTGGAGATAGCTTTTGTTATTTGCTATATATTGCAGTTTTA  
TAAATGAAAGTTCTATTAGAACCGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5363 NM\_001059256|Oryza sativa Japonica Group Os04g0408700 (Os04g0408700)  
mRNA, complete cds

ATCTCCGCTCCTTTTGATTTTTCTCGAAGCTTCGTCAGTTCATCTTTTTGGTACATAACTACAACACCAGCTCT  
CTCCGATTCTCAATTCAGCCATGGAAGACGATTCGACTTCGGCGACAAGGTCCCGCCGGCCGTTAACCGCA  
TGAGGAATGTGATTAGAGATGGAGAAGCAAGAGGATTCAACCCAGGACTGATTGTGCTGCTTGTAGTTGGTG  
GGTTGCTATTTGCATTTCTTGTGGGAATTATGCTCTCTACATGTATGCCAGAAAACACTCCCACCAAAAAA  
GAAGAAACCAGTTTCCAAAAAGAAGATGAAGAGGGAGAGATTGAAGCAAGGTGTCTCTGCTCCCGGAGAGT  
AGAAGTGTAGTGGTAGACTTTTCTTTATGTTTTGTATGCCTGTTCTGATTTGGTTGAACTACAAGTTCTACC  
AAATGAATGTCAATGTTTGAAGAGTTGTTTTCTTACGTTGTTAAGTTGGTTAGAATCTGAACATATAAGTTGA  
GGTTTATTGTCGCTTGATCCTTAGAGATGAGAAATAATAAGAATATAGTTTATGTAGAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCGGCCCTCAAAAACCTTATCAATCCCGCCAACCCCA

>trans\_c\_5364 AY104951|Zea mays PC0082478 mRNA sequence

TAAGGTTTGGAGCATGAGCGGAGGACCTTATTGCCGACCCAAGCATTGGAGACGCAATACCGCCATTGCCAT  
GGCTGGCATCGTTCTCATCTGCATCCCTATCGCTATGAAATCAGCAGAGCTTGAGCAACGGCCACACCATCCCA  
TTCGACCAATTCCATCGCAGCTCTGGTGCAAGAATTTTGAAACAAGGAGTACTAATTCTCTCATATGAAGATT  
GAATGCATAGAATATGATGAGCCAGAACTGGGTTCTTGATTTTGCAAGTCAACTTCTGGATCTGGTAATTGC  
AAGACTAATTTTCCAGTTCTTGGCGTTATCTTTCCAATCTACATCGATCTTGTGATGACAATAATAAGCCGCT  
GTTTGTTTTAATCACCATATTAAAGTGTTCATAACGACCAGAAAGAAGAAATTCTGTCTAATTTGAATTGTT  
CAAATTCAATTACTTTCTTAGTGTTTTAATATATGTTTCTAAACACTTAAGAATTGAAAAAAGATGATTGTTATT  
GGTAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5365 AP009369|Arabis hirsuta chloroplast DNA, complete sequence

TTCCGACCCTCCCTCGCGGGTTAAACGGCTCATATGTTGTGACTTGGAATAAACGTTTCTCTGTGGAGAAAGA  
GAAATAGCAATTTTTACTATAGAACGTCTACAAACACGTCGTCATGGCGCAAAGTGATATGCGTTAAGTCGT  
CTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTACTGCACTATGATCTTCTACATCCTAGGTCTTCC

CGTTCCTTCATCTGGCTTATGTTCTTCATGTAGCATTGACACCGAATGACTCTATGAAATTACGTCGATACTTCC  
ACATATTACGGGTAACGTAGGAGACATCTCTATTTTTCCCCTCGGGAATCCTTAGAATTACCACTGCTTAGCTTT  
CAATTTGCCTCTGACCATCAAATGAAATGTGAATAACCCGTCCTCCTCTCTTTGAAACAAGGGACGCTTCTGGT  
TCTGTGGTGCTTGAAACAATTTAGTCTTCTCCATATTACTATATCTCTAGAGTCAATAATTCCGCGCAGAAGGT  
CGTCAGGTCTGGCTGTCCATCATTACCGTCTCCTGACCCCTCACCAGAACGTAAATGACATCCCACAGCTTCGG  
CAGATCGCTTAGCCCCGTTTCATCTTCGGCGCAAGAGCGCTCGATCAGTGAGCT

>trans\_c\_5366 NM\_115133|Arabidopsis thaliana ubiquinol-cytochrome C reductase UQCRX/QCR9-  
like family protein (AT3G52730) mRNA, complete cds

ACGAATCAAGCAATTCATTCTCTGTTGTCTTTTCTCTCAAACAAAGGCGCGAGAAGTTTTTGCAAACCTAAC  
GCTTAGATCAGAAGAAGAACTCGCGAGAGACCCCAATCGACAATGAATTCAGCAGGTGGAAGGAGCGGGGG  
AGGCCTTCTCGAAGGTTTTTACAGAGTGATTATGCGCCGTAATTCTGTTTACGTCACATTCATCATCGCTGGTG  
CCTTTGTTGGAGAACGGGGCCGTGGATTATGGAGTTCAGAAGCTCTGGGAGTACAATAATGTCGGGAAACGGT  
ACGAGGACATTTTCAAGTTTGGGGCAAAGACCAGTGGAAGAATGAATTTGTTAGCCACTTAAAAGCTACACAAT  
CATGGATTCAAGAGGTAAAGAAACTGGCTGTCTTAGGATGGTAAATGAGAATGTATTTCCAATGGGAAAAAC  
GTTCTCTTTTTTTTCGGTCTGGAAAGTTTTTGTCTTCATGAGATTCTAATCGTATTTTATTTGATATAAGTTT  
GGAGTTACAAGCTGTCTATTATTTGATTGTTTCATCAAGAATACAATAAAAGCAAAATGTTGAGAGTACTAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5367 NM\_001062715|Oryza sativa Japonica Group Os05g0540200 (Os05g0540200)  
mRNA, complete cds

AAGAAGAAAAGTATCCATTTCTCATCCTTCATTGGGTTTTCTTTTTTCTCCCTTCTCCTCTTAACAAACCTTTCC  
ATTGCTGATTCTCCGCCGCTCCGCCACTGAAGACAGTAACCGCCAATTCTTCACTGTTTCCGTTTTCTTTA  
AATATCATTTTATTCGAACGATTCAATCGCCAATTGCGCCAAAATGGCGAGTTATTTATGGAGGAAGTACGCC  
GATTATCTCTACACCAATGGGAAAAACGCTTCTCTGGGATATGATCGATCCCTATAGACGACCTAAATCCTT  
TACGCCTTTGGTTTCCATATATACTGCTGCTTTTTTACTGTTGTTGTCGGCGCTGCCATTACCGAGCAATTCTA  
TAAGGAAAAGTATTGGGAAGATCATCCCGGGGAAGCTGTTCCATTAATGAAACCAAAATTTTATACTGGACCT  
TGGAGGGTAATGAGGGGAGAAGTCCCTGCACACACGAAGTGAAAGCTTTAGCACTCGCCCTTCTCTTCATGA  
TGATACTGGAAACATATTGTAGAAAGTTAATGACCGAGCATTTGCTGTTTGCTCAAGAAATTGGTACGATTAA  
TAATAATAATTCATATTTCTGTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5368 NM\_111139|Arabidopsis thaliana nuclear associated protein-related / NAP-related  
(AT3G02710) mRNA, complete cds

TTTTGGGGTTAAAGACCGCCTTTGCTGCCTTTATGGGTAAGATCCCTTTGAATAAGAAAAACAAGAAAGAGCG  
TTATCAAGAGGAGTTGGAAGAACGTATCGTGTCTTATTGCATCGTTATTTGGTAAGCAGGTGGTATTTTGA  
GGGGTACCAGGAAGGAAAGGTTATTGAGTAAATTTGTTGAAAATGAGTGTGAAAAGATTGACCGGCTGATG  
GAACTCTACTTAAGATATTCTGATAGAGTCAAAGTGGAGATGGAGCGGCTAAACCAGATTGAACTGAAGAC  
TTAGAGATGGATGAAGAAGAGAAGTACAATCGTAAATTAGAATCTGGACTTTACACCTTCAGTTGGTTGCTG  
TTATTCTGGGACATCTATGGTGCTCTGAACACTCTCAAATGAGAGCAAGAATTGAATTATTACTCAAGCAACAA  
AACTCACTAGGCAGGACATCAAGAACATTCTTCTGGAGTACCATGACAATATTGGAGATCTGGATGGACCAG  
AGGAGAAGGAGAGAACACAAGGGAAAATTCAGAAGTTCATCTCAGCTCTTTGATTCTTAACCTTACCTTCTTTG  
CTCTTAGCTCTAGTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTATGACAGTGTATTCTATTTGCATACC



>trans\_c\_5369 NM\_001054213|Oryza sativa Japonica Group Os02g0667000 (Os02g0667000)  
mRNA, complete cds

ACTCAATATCAAAATCGGTCTTCCGTCGTTGAATCCTCAAAGAAATCGGAACCGAACGACAGAAATGATTATA  
CCTCCGATTGAATCAAGCAGGGAATTTCGCTTCACTTTAATCTGCACCATCAGTGTTATCCTCTTCATTTTGATCA  
TTAAGGAAAGAGAAATCGCGATGGTCTTCTCCCATGATTTACGTGAATTTATTCTTCGAGCAAGAGTGTTGAA  
ACTGTATAGACAGGGTTTAAGAACAGCTCGGAAAGCACCTGTTGATGGTCGAGATGAATTGAGGCATATGAT  
GAGAGAAGAAATGGAGAAGAACAGAAAGTGTAATGATAGACAGAAAATAAGATTTTTGTTGAGCGAAGGAA  
TAGAGAGATTGAAGCAATTAGATGAGATGTTGGATATGCAAGGCCATTAAGTAGAGATCTTCTTTTCTTCTT  
TTTTTTTATTAATTTTGATTATTGGGAGTTAAGTTTTCTCCAATCATTTTGGAGTGCTCATAGAAAGGAATGT  
TGTTTTAGGGGAAGGATATGAGTTTGGTTAAGGGCTTATCTTCAAGTTATTGTAATCAAATTGTGATTAAGGT  
ACAAAGGAGTTATTAATCCATTTATCACATTATTTGTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5370 AF531370|Gossypium barbadense fiber protein Fb11 mRNA, complete cds

AAGCCACGAACAAGAACGGTCAGCGAATCAGGAGAAAGTTTCGAGAAAATGCCTGTCATGGAGAAGCTGAA  
GATGTTCTGAGTTCAAGAGCCCGTGGTGGCTGCATCTTGATAATCGGAGGAATTGGTCTTTTCCTCCAGCCT  
TCGTAAGGCCAATTCTGGATTCCTATGAAGCATCTAAGCAAGTTCCTCAGCCCGTATTAAGTGATGTGGTTGCA  
AGTATGACTGGAAAGAAATAAGGATGATCTGTATCAGTGACACTAGAAGATTGTTCTTAATGTATCACTGTTT  
CTCTTTTTTAATCAATTTTCATTTCTTCGGCCATAAAATAAGGATGTACAATGTTTTTGAAATCAAGCTTCAT  
ATCAATAGTTATTATCATAATTGCCATTGATGCATAAGACTGATTTTCAAGTTATTTAGCTTTAATCAGTCCTTT  
TGAAGTCTGAGTGAACTTGCCTCACCATAATTCAGGTCTATAAACTCGTTTGGTTCTTTAAGGTGGGATTG  
AACAATTGACCTTTGAGATGATATCCTCCAAGCTATAAATTCGTTTGGTTTGTATTGCTAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5371 NM\_001069676|Oryza sativa Japonica Group Os09g0408500 (Os09g0408500)  
mRNA, complete cds

AGTGTTTTAATATTCTCTCCCTAATCAATACCATCGTTAAACCTAGATTTTCAGGTCCATCTCTTCAAGTTCTGT  
GAAAAACCACATCAGTTTTCTCTGTGTTATGTGTTAAGCATCATTCAGGGAGAAAGGTTTTGTTTTGGACAG  
TGTTTTAATGACAGGAAAAGCAAGTTTAATCTCACCAACTCTCCATTCTTCTCTCCTTCCAAGCTTCATTGGTAT  
TAATGAACTGTTTTCCCTCGACAATATGGCAGTTTTCTGCATGGTTTTGAGAATTCATATGGACTGCAATGG  
ATGTTACAGGAAAGTAAGAAGAGCTATTCTCAGTATAAAAGAGTTGGAGACCCATTTGATAGAACAAAAGCA  
TTGCAGGGTAAGCGTTTGTGGGAAGTTAGCCCTCAAGATATAGCAATCAAATAAGGAAGAAAACCAACCG  
CAGAGTAGAGATATTGGAGGTTCAAGAGTGTGATACCTTCAATGAAAACAATGATATCCAAGGGCCCTTGATC  
ATCAATGCCTGGAAATGCCAATCAAATATGACCAAGTCGAACTTGTTGTACGCATGAAGGTGACACTAAAG  
AACAGCAAGAATTAGCTTCTCTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5372 GU563825|Glycine max glycine and proline rich protein 4 (GPRP4) mRNA, complete  
cds

CTTCTCATGGCTATCCACCCCAAGGATATCCCCAGCTGGCTACCCTCCGGGCGCATATCCTCCTGGTGCTTAT  
CCTGGACCCTCTGCTCCACACCATTCAGGGCACGGTGTAGCAGGAATGCTCGCCGGAGGTGCTGCAGCTGCA  
GCAGCGGCATATGGAGCTCATCATGTGGCCCATAGCGCCGGTCATTACCCCATGGTGTTGCTCATTATGGTC  
ACGGTCATGGTGGAAAATTCAAGCACCATGGGAAGTTCAAGCACGAAAGTTTGGGAAACACAAACATGGG  
AAACACGGCATGTTTGGTGGTGGAAAATTCAAGAAGTGGAAGTGATTTTCAGCCATCTCTTTTACCGAGCC  
TTCTTCGTCGGTTGATTTCAAGAATGGTGTGCGTGCAGATAGCGAGCGCGTTGCCATCTTCTTCTCTAATTT

CCATAATGTCTTAAGACTCTGAATTCGTATCTACTCTTATTGTCTCAACTACCTTTCTAATGGCTTGTGTACTCC  
TTTTACTCTTCGCTGGTTGGACATCAATAATCTGGATCCATCTTCCAGTTTTACATTATTTACTTCTTATTGTA  
AATCTTTTGGTTCAACCTATAATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5373 NM\_001188943 | *Oryza sativa Japonica Group* Os09g0458800 (Os09g0458800)  
mRNA, complete cds

GAAGGCTAACAAGCTATTATCATCAACAAAAGAGCTTACATTCTCAAATATCATTGAAATGGCAATGTCAAGG  
TCTCAATTGAAGTTGACTAGGGACGAGGTTAGAGAGATCTTAGAAGAGCATGATGTGGACGGTGATGGTAAC  
CTGACGAAGCAAGAAGTGATGCAAGCCCTGAACTCCATGGGTGCTTTGATGTCGTTTCAGAAAGCTCACTATG  
GTGTTTCTCATGCTGACAAAGATGGGGATGGTAAAGTCGATCTAACTCGAGAAGATGAGCTGGAAAACTTG  
TTGACTATGTCATGAGGTTTCAGACCCCAAGGACCCCAAGGTCCCTAAGGTGCCAGCCCAGAAGCCTTGCCA  
TGATGGTAAATCGATTGTGTAATAATCTTAGTTTATTTCTATTTATTATGTGTTTCGTCGTCGTCGTCCTGTTTTCC  
AGTCCATATAGTTTACGCTACAAATTGAGCTATGGCTGTATGCTCAAATTGGCAACTATCCACATATGTTTGTT  
ATCTGCAGTATTATGTGTCATCCATAATAAAAATGTCTTCTTGTGTATCCATCGATTATTATATAATAAACATTC  
CTAAACCAATGTTAAAAATGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5374 EF634318 | *Ricinus communis* phosphoenolpyruvate carboxylase (PPC4) mRNA,  
complete cds

GTGTTTGTGAAAAGGGTCACACCGAAGAATTGAAATCGATGTATGAGGAATGGCCTTTCTTCCAAAGTACCCT  
AGACCTTATAGAGATGGTTATAGGAAAAGCTGATACTCATATCGCAAACATTATGATGATGTCCTTGTTTCG  
GAGAGTCGACGCAATATTGGATCAACATTGAGGAAGGAAGTAGTAGAGACTGAGAAGTATGTCCTGGTAGTT  
AGCAGGCATGGAAAACATATCAGAAAACAACCGAAGTTTGCGGAAGCTGATTGAAAGCCGACTCCATTATCTTA  
ATCCTCTGAATCTATTGCAGGTGGAGATATTGAAAAGGCTGAGATGTGATGCTGAGAACAACAAATTAAGAG  
ATGCATTGCTTATTACCATCAATGGAATCGCAGCCGGAATGAGGAACACAGGTTAAGTGGTGACGGGCTTTCA  
TCAAGTGATTATTACCAAGAGCCTTAGAATAAAGAGACTATGTAGGTTGAGTTCAAACAAAAAAGAGAGCA  
ATGTTAGGAGAAGAAAAACCTTTAGTTTAAGATTTTAAATGCTTGAATTAATTTATTTGAAGCATTTTATGTA  
AATTTTGTGTTGGCCAGTATTTGCATGCTGAACACTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5375 GQ997954 | *Berberidopsis corallina* voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f  
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

CAAGCATATATAAAATAAATGAGTGATTCAATGTAAGAAAAAATTTAGTGGATTCCGTTTTCAAGAGTTACAAT  
TATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTT  
CAAGTGCTTTCTGGGTCGTCTCAACCCTTGCGATGGGGCTTTTCGGGGGTTTTTATAACTATCTTTTCGTGCTTG  
GGAAGCCCGTCTGTTACTAATAGAGTCTAGCCTATGTTCTTCTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTATTAT  
AAATCGAGTCAATGCAGAGGAAATGAATGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTGAAATAGATAAAACATAATCT  
GTATTATGGCATATATATCACCTATTCTAATGGATCTTACGGAGCCTGGTCATGCACGACAGTGGTCAAGTCTG  
ATCATGGAAAAGATTCTCTTCAAGCGAACCAGCCTACCCTCTGTATGGAGCTTTCGCGGTGGTTGGAATAAAG  
ACACATTTTGTGTTGAATCCAATGTGGCAGATAAAAAGACATATATCTACACGGTCCAATCAATAGTTCAAGT  
CACACACTCCCATATCCATTTTCTCTCGAAGAATTCCCTTCAACGGCCT

>trans\_c\_5376 NM\_114545 | *Arabidopsis thaliana* PTAC16 (PLASTID TRANSCRIPTIONALLY ACTIVE  
16); binding / catalytic (PTAC16) mRNA, complete cds

AAACCGAAGAAGAAAGCCCCGACACTGCAGCCAATTTAGTGAACAACCTTTTTCAATAAAGCGAAGGGGTTTG  
GCTCGGCACAGCCATGGGAAAAGCTATCTTTTCAGCTACAAAACCATCTGAGGAATCAAATGCTCAGATAGC

CACGGTTAGAGGACAAGCCAAAGCTCGAGCATTGCCACCAAAGAAAGCTTCCATAAGACAAACACAAAAGAC  
CAATTCAAAGCCTTCATTTGGTTTGAAGCAGAAAGAACTTCGAAGCCCCAAAAAGCAGCAGCAGCAGCAGC  
AGCAGCCAAAGAGGAGACAAAGGCAGAGGTAAGGAAAGTTTTTGGTGGTCTCTTTAAGCAAGAAACCATATA  
TGTTGATGATGATTAGGAAGAAATATATAATTGTCTCTTTTAACACCTTATGGCTGTGGCTGCTGATATAACTC  
TTTGAAGAAGCTTATTTTAATTTGTGTATTTAAATTGTAATCTATGTATGTATCTGTGTTTATGGGGGTTGGTTG  
GTTACTTGGTTTTACAAGTTTCTGCAAAGAATAAGTGAGCTTTTTGTGTGATTGCGACATTCATAATTGTTTTT  
GCAGTTGAGAAGCAAATTGTCCAACCTAATTCATTAAATATTTTTTTGCTTTATG

>trans\_c\_5377 XM\_002301363|Populus trichocarpa GH3 family protein (GH3-12), mRNA

GTTAACCCAATGTTGCCCCCTGAAATGGCCACCTTTGCTGTGCTTCCGAACATCGGATACTTCGAATTCATCCC  
ACTAAAGGAGAATGCTCAAGGTCAGCATCAGAGGAACAAGCCAATTGGTTTGACCGAAGTCAAGATCGGTGA  
AGAGTATGAGATAATCGTTACCAATGTTGCAGGGCTGTACCGTTACAGATTAGGAGACGCAGTGAAAGTAAT  
GGGTTTCCACAACCTCGACGCCAGAGCTGAAATTCATCTGTAGGAGGAACCTTCTATTGAGCATCAACATCGAC  
AAGATCACGGAGAAGGACCTACAGCTAGCAGTGGAGGCAGCGGGGAACGTGCTGGCAGCAGAGAAGCTGG  
AAGTGGTGGACTTCACAAGCTATGTTGATGTGTGCGAGGGAGCCAGGACACTACGTGATATTCTGGGAGATTA  
GCGGGGAGGCGAAAGGAGAAGTGCTGGGCGAGTGCTCCAACGTCTGGACAGGGCTTCTTAGACGCAGGG  
TACATGAGCTCAAGGAAGGTGAATGCCATTGGAGCATTGGAGCTGAGAGTGTTTCTGAAGGGAACTTTTCAT  
AAGATTATGGATCATCATCTGTCTGGCTCTCGCCGACACTCAGTCATGTTTTGAGGAGTGGTGTGG

>trans\_c\_5378 NM\_001056031|Oryza sativa Japonica Group Os03g0237600 (Os03g0237600)  
mRNA, complete cds

AGCGAGAGTGA CTATTAGCAAAATCCCAGCTATTGTTGATAATCTGATACACAAAACCTCTGGCCTGGGAAGAT  
GAAAAGAAGACTATGTTTCTTTATGATGGGGCAAGGTTGGTGACAATACTTGAAGATTATAAATTAAGTAGAC  
AGCAAAGAGAAGAGGAGAAGAGGAGACACAGGGATCAAAGAACTTCAGGATATGCTCCTCACTGAGAAA  
GAAGCTATGTACGGTTCTAAACCCAGTCTCGGAAGAGCAACAGCTTTAGGAAGACTAATGGATATCGTGCG  
AATGGGAATGGATCGATGACACCCACGCCTCGCCGAACTCTGTGCGGTGGAGCGACCCAGAGCTCCTAACT  
CCTAGATCCTATTCCGGTCGCCAAAATGGATACTTCAAAGAAATGAGGAGATTGTCTACTGCACCATTTGAAC  
TGTGGCCATATCCAAGGAGGATACGATGCCGTATGCTTCAATTTATGGATCTGAGCCAGGCTCTCCCCCAG  
AGTTAAATCTTAGTGCTCTCAATATGAATGGTCACAACGGTCACAGCCTGGATATCTATATACATGAACTAATG  
CAGCAGCAGCAACTTTGTGAATAGGAAACAAATTGTAACTAGTTTACAACCTGTGATTTG

>trans\_c\_5379 Novel Gene

CTCTCAACGAGCAAATCTAGGGCACATTCTTCCGCTCCTCATCACTTCCATTGAAAGTTCCTGGGGCGTTTAAT  
TTTACGGAGGAACTGAGAAAACGATTGCGCGATGTCTGGAAGAAAAGAACTGTTCTGGATTGGCTAAGTT  
TG TAGACAAAGGCGTCCAAGTGAAGCTTACTGGCGGTAGACAAGTTACTGGAACGCTCAAAGGATATGATCA  
ATTGCTAAACCTTGTGCTGGATGAAGCTATAGAGTTTTTAAGAGATCCTGATGATCCATTGAAGACAACAGAT  
CAAACCAGGCCTCTTGGCCTAATTGTGTGCAGGGGAACTGCTGTGATGCTGGTGTCTCCAGTTGATGGAACAG  
ACGAGATTGCTAACCCCTTCATCCAGCCGATGGTGCATAGATGTAACCTTTTTTTTTTTCTTTGTTAACTCTAAT  
TTCCCCATTCTGTATTTGAATATATCAAGTTTCGGTATTTACTTTGTGATTCTCCTCTTTCTCTTCTCTAT  
CGAACCATTAAGTTTCAATGCTCCTACATACATGGAGCACTTATCCATGTGAAGTAAATGGTGAAATTATTGT  
TATGCTTTTGAATCTTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5380 BT024530|Arabidopsis thaliana At2g37975 mRNA, complete cds

AAGATCAACAGGCTGTTTGTGTTGTTGACTAATATTTACCTCTGTTCTCAAAGCTGAAACCCTCTGTATTG  
CTCGCTCTCAGAATTCATAAAAAGAAAGATATGTGGTTCTGGACCTTCTTTCAAGGGATTCTGCTGTTTACAAA  
TGCCTTCGCAATTCTGAACGAAGATCGTTTTCTAGCTCGAAGAGGATGGACATTAGCAGAGATGTGAGAGA  
AAGAAGAAGCACGCTCAAAGGCCAGGTAGTTGGGCTCATCCATGCATGTCAATTCTTGAGACTTCCACTCATT  
CTTTTCAATATCATCACCATCATCGTCAAGCTCTTCTCTGGTTGATTCAGTATATAACGTGAAAGAAAACCCTGT  
ATATTACTGTATCTTGAAGCATTACATATTCGTATTTCACTAGTAATAGGTTTGACTCCAGCTTTTGCTCTTAATT  
TTAGCTTTTCAATTTTCTGTTATCAACCCACTTTCTGAGTACATTTCTAAGAATCATCCAGCATATTTAGTGACCTTAA  
AATCCTCTGTTTGTAAGCACATGAAGTGATCTATATGTTCTAAGAAACAAGTTTGAAGCAATCCAGTTGATCTC  
AACAAATGAAAGTATTACTTAGACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5381 XM\_002866963|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata hydrolase, alpha/beta fold family  
protein, mRNA

TGTTTTGAAGAGTGTATACGTAAATTCTGAAAATGTGGATGATTATCTGGTAGAGTCTATATCGATGCCAGCA  
GCTGATCCGAATGCTAGAGAAGTTTACTACAGATTGATGACAAGATTCATGTTCAATCAAAGCAAATATACTTT  
AAACAGTGTATTGAGTGAGCTGCGTTGTCCACTGTTGTTGTTGTGGGGTGATTTAGATCCATGGGTTGGTCCT  
GCTAAGGCCAACAGAATCAAAGAATTTATCCCAACACAACCTCTTGTAATTTGAAAGCAGGGCATTGCCAC  
ATGATGAAGTTCCTGAGCTTGCAATTCTGCTCTGATGGATTGGCTAGCAACTCTACAACAACCTCAACCAACA  
CTCTGAAGATCTTTTACAAATTTCACTGTATCACTTGCATTCATTCACTATAAATCTCATATTTTCTTTATACTT  
TTCAAATGCTCATGTCTGAACTTAGAATCTTTATGGATTTTAGAATAGTACCAAAGACTTGTTGAGAATTTGA  
AGTTTGACAATCTTATTTTCTCTTTCTCTTGACATGGAAACAAAACACTAAAATACAAAAGATGAAGAA  
AATAAGACGATAAATCTCTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5382 AY019775|Oryza sativa microsatellite MRG2100 containing (AT)X51, genomic  
sequence

CATTTTTTGCAAGCTTTCTTTGCTTGTTGACTGTTTTGGGTCTCCTAATTTGATGGGAGACTTCCTCTTTGATG  
GCCATGGCTCCCTAAGAAATACAATTACCAAGTCTCAGTTAAGATTTGCCTGTCTTTGTACTCCCACTTGTCTAC  
CTAATGGTTTTGTCAAGCTGAATGTTCTATAATTAGATGTTTTAGCTTACAGATTCATTTCTTCAATGCATCTGC  
CTTTAAGCTTTGATATATATATACCAAGTCTTTATCTCTGTTGTGTTTTGTAATAGTCTTACTTGTTTTTCAT  
CATTCCGTAAATGTCGTTGTTCTTGTTGCGTCGCTGTCTTTCTGTGTTTGTGTCATATGTTATGTTTTGCTTCCA  
GTCGATGTTAAATGTCGATATCTGTTGAATCGTGAGCTTCGGCATTGGTATTCTGTTTGTGCGTCAACCTATG  
TATAATGGTTGTATTTTTTCGGAAGCCAATAGTCGTTTACGTTTAATATGTGTACCCTGTAACCTATGTGTTTA  
CTGAATAAATGACAAGAGATCTTCCTCTTTGTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5383 NM\_001055375|Oryza sativa Japonica Group Os03g0128400 (Os03g0128400)  
mRNA, complete cds

AAAATGACACGTGGATTACGAATGGAAGAAGCACCAACCACTCCCTCTTTCTCTCCGGAAGCTCCGAAGTCTT  
TGTATTACGACTAATTCACCGACGGTGAAGAATGGCTTCCATCTTCGTTGCGCCGCCGTCTCAACTGAATCTTA  
CATCCCGCCGGAGTTTGACTCACAGAGCCGTTCTTCTTCTTCCATCGCCAGCATTCAATTTCAAGTGAACGCCT  
CTCCATTTCTTTCTTTCAGCAACAGGAAGAACATCATTGGATTGGAATTAAGGCAAAGATCTATAGCAGCCTCA  
AAATCCACAGATGGGAATTCATCAAGGAGGAAAATAGTTCGAGTAAAGCAAGTAGTGATGATGCCCAAGGT  
CCTCCATTTCTTACCATTTTGGCTGGATTTTTGTCTTTCCCTTATACTATGGATATTCAGTTCTGCTGTTACCTC  
ACTTTTAGGTCTAGTCGTCAAGCTGATCTCAGCAAATAGTGTCGCATAATTGGAATGGAATAATTTTCATGTT

TCTAGGCTTAAATCTGTATGGTTATATTTGTAGCAAACTTACCTGTTAGCCAGTTTGTAGCTTTATTTCTAGTTA  
ATAGATTTTATTTTCATCCAAAAA

>trans\_c\_5384 NM\_001036313|Arabidopsis thaliana 40S ribosomal protein S25 (RPS25B)  
(AT2G21580) mRNA, complete cds

CGAATTCGTTTCGGCGTTCCTCTCTTCTCTTCTGCATCTTCATCAGCACATCCAACTCCGGCGGTGCAACTTCGAT  
TCCATGGCGCCAAAGAAGGATAAGGCTCCTCCACCGTCTTCCAAGCCTGCCAAATCTGGCGGAGGAAAGCAG  
AAGAAGAAGAAGTGGAGTAAGGGAAAGCAAAAGGAGAAGGTCAACAACATGGTTTTGTTTCGATCAAGGAAC  
TTATGACAAGCTTCTTGTTGAAGTTCCCAAGTACAAGCTTGTCACTCCTTCAATCTTGCCGATAGGTTAAGGAT  
CAACGGATCTCTTGCAAGAAGAGCAATCAAGGATTTGATGGCCAGAGGTCTCATCAGAATGGTGTCTGCTCAT  
GCCAGCCAGGAGATCTACACAAGGGCTACCAATACCTAATTTCCCTTTTCAATTTGTCTTTGAGTTTGCCATGAAT  
TAGCTTCTTTTGGTTTCAAAGTCTCAATTCACATGGATGCTATAATTTGCAATTTTGACGTGATATCTTTCTTG  
TTGATCACTATTTTATATTTATCAAGTTTAGACTTCCGAAAATTTTGTCAAATTCACATCTTTAAAGGCTTAAT  
TTCATCTTTGTTGTGCACAAAAA

>trans\_c\_5385 GQ200734|Gossypium hirsutum cultivar Xu-142 cellulose synthase catalytic subunit  
(cesA7) mRNA, partial cds

TCGTATGCCATTAACAGTGGTTACCAATCTTGGGGTCTCTTTTGGTAGGCTGTTCTTCGCATTGTGGGTTATT  
GTCCATTTATATCCTTTCCTAAAGGGTTTACTGGGAAGGCAAAATCGTACACCAACCATCGTCATTGTCTGGTC  
CATTCTCCTTGCTTCCATTTTCTCATTGCTTTGGGTGCGAATCGATCCATTACCTCGGCCTCGACAAAGGCTGC  
CAACGGTCAATGTGGTATCAACTGCTAGACGGTTGGATTAATAGTTTTGTTCTCGCAAAATGGTGATTTTCCTG  
TGAATATGACAAGAAAGAAATCAAGGCATTGAAAAAAGTCCTCAGGAAGGAACCAATTTGAAGAAAATAAG  
AAATGATGAGGTTTCCAGATTCTCTCACAGGTCTTACACCAAAATTTGTAGGTGTCTGAAGTTGTATTGGT  
ACGTTATAATATTATATTGTGCAGTATTGTGAAGTTCCATTTGTTTAATGAAAATAGATAAAGGAATTATTTATA  
TATCAGGAGAATTTGTAAGAACAGACACTGAATTTTTGATGTTTCAGAATTGTTATGACAGTGAAATTATAAT  
TTAATAACCGTCCATGTGAAAAA

>trans\_c\_5386 NM\_001064958|Oryza sativa Japonica Group Os06g0691600 (Os06g0691600)  
mRNA, complete cds

CTTGCACTACACTCATATCCCAACACTCATACAAACCATGGCTCAAGCCGGATCTCTCTTGGTCGACACCGAGG  
CTCTCAGCCACATCTTCAACCTAATAGAAGCGTTTAGGGCATTGATGCGGACAACGACGGGTTGATCTCGTC  
AGCTGAGGTTGGGGGGATCGTGGGCTCGCTCGGGTACAACCTGAGTGAGGAAGACGTGAAGATGATGATGG  
AGGAAGGTGACGCCGACAAAGATGGGTTGCTAAGCATGGGGGAGTTCTTAGAGATGAATGCAAAGAATATG  
GAAGTTGGGGAGCTGGGGAGCTATTTGAAGATAGCTCTAGAGGCTCTAAAGGCAGATGGGGATGATCTTGT  
GAGTGGGGAAGAGCTTTATGATGTGTTTGTGAATTTAGGGTTGGATGTTTCACTTGAGGATTCCATGGCTATT  
GTGGCTTCTTTGGATGGGGATGGAGATGGAGCTATGTTTCTTCATGATTTTAACTTATTGTTAATTCCTTCAC  
TAAGTACTTCACTTTTAATTAGCCCTTTATTTTATCTTGCCTTTCATTAGTTATGTATTTGACTTTTACTTCTCTAC  
GTATCAATAAATTATTCTACTTTCGCAAAAAA

>trans\_c\_5387 XM\_002870957|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PWWP domain-containing protein,  
mRNA

AGGCAGTAAATGAGGACATGATTTCACTCCAATATGCCCTTNGACAGATAAACTACCATGTACAACTAATTC  
CAAGTATCTTTACTACCATGTCTATGAAGAAAGTATCAGCCAAGTCCTATTTATTTGCAAGTTAACTCTACCAAG  
TTAAACTATCAATATGAGGTGAAAACATACATCACTTAAAGCGAAAGTAGTACATACTGGTTTCTCTTCAAGTT

GGCTGAGAAGGCTGCAATTCAAACCTTAATCTTTAGGCATCAAGTAGCAGTTCATTCTCGAGATTCACCTTCTT  
TTCTGCATCTCCTGGTCTGACGCAAAGAACTTTAGTTGGAGGCAAGAACTTGAGGCGGTAACATAACAAGGG  
CAGTCCCAAAAATGCTACATTTCCCGTATCGCTGAAAGCTGTTTCAGCATCAGAAGTTCTCTTGAAAATACT  
TTAGCGCTCTACTTTTCTTCATAACTTCAGTCTTTGACTCGTACAAAGGCCCATATTTTCTAAATATATCATTCA  
AATTTGTTTCTGAAGGGACAGAATCCAAGTCTGTAAAGGTTAAAATCAGAGCTGTGGATAGGGATCCTCCAC  
ACCATTCTCTGATTCTGGTTCAACAGATTCAAGAGGCTCATCTTTATC

>trans\_c\_5388 AY389653|Hyacinthus orientalis ribosomal protein L34 (RPL34) mRNA, complete cds

GGCGAAGAAGGGAGGAAGAATCATGGTTCAGCGTCTTACATACCGCAAGCGCCATAGCTATGCTACCAAGTC  
TAACCAGCACCGTGTCTGTCAAAACCCCTGGTGGGAAGCTTGTGTATCAGACTACCAAGAAAAGAGCTAGTGG  
ACCCAAATGTCCGGTTACCGGCAAAGGATTCAGGGGATTCCTCACTTGAGGCCAGCTGAATATAAGAGGTCT  
AGACTAGCTAGGAACCGCAGGACCGTGAATCGTGCATACGGTGGTGTGTTTATCTGGCAGTGTGTGAGGGAG  
AGGATCATCCGGGCCTTTTTGTTGGAAGAGCAGAAGATTGTCAAGAAGGTATTGAAGATTCAGAAGGCTAAG  
GAAAAACTGGCATCAAAGAGCTAAATTGATTGTGTTGGTGGTTTTTTTTTTTAGAAAATCGATGAAATTTTGA  
CTGTTTTTTGTGATGTGATGCTGAATTTTAGCGATTACTATTTATTTAAAGTTTGTGTTTTGGAAGAACGATGTAG  
AAGATGTCAAAGTATTGACTGTTTTTAGCATTTGAGTTGATTGAAGATTTAATTAAGACNAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5389 Novel Gene

AAGGGTAAAGGAGTGAAATATGCTGATGAAATCGTAAGAAGAAAAGAAGGAAAAGCAGGGAAGAAGAAGT  
AATGGCTTGTAATTCATTGTTGGTTTTTAATCTCTCTTTTGAAATATTTGTATTTTTTTTTCTAGTATCAGAAA  
GGATTATTGTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCGGCCCCCCCCCCCCAAAAA  
AATTTATCCCTCCCCCCCCCGGGGGGGGGGGCCCCCACCCCCCCCCCTAAAGGGGGTTTAATTACCCCCC  
CTCCCGGGCCTTTTTTTTACACCGGCGGGGGGGGAAAAACCGGGGCCTTACCCAATTTACCGCCTTGAAACC  
CCCCCCCCTTTCCCGGGGGGGGAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCACCGCCCCCCTTCCCAATGTTTGCCCCGCT  
GGAAGGGGGAAGGGGCCCCCCCCCTGGACCGCTTAATTAAGGGGGGGGGGGGGGGTGGTTACCCGAGGGG  
GACCCCTTTGTTGGCCCCCCCCCTCCCCCCCCCTCCTTTTTTTTCTTCCTTTTTTTTTC

>trans\_c\_5390 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

TAAATGCTCCATAGATAATAATAAGAAATATTTTACTGTAATACCTTGTTTTGACTGTATCGCACTATGTATCAT  
TTGATAACCCAATAAATCCCATTATCGTATCCCAGTTCAAATCAAATTTTAAATGGAGGAATTTAAAGGATAT  
TTAGAACTTGAGAAATCTCGGCAACGTGACTTCCGCGCAAGGCTTAGCTCAGGACCCCACTACTCGTCGTATTT  
GGTTTGGTATTGCTACCGCGTGCACTCCTAGGGATCATGATGATATTACTGAAGAACGTCTTTATCAGAATATT  
TTTGCTTCTCATTTTCGGGCAATTAGCAATAATTTTCTGTGGACTTCCGGAATCTCTTTCATGTAGCTTGGCAA  
GGAAATTTTGAAGCATGGGTACAGGACCCTTTACATGTAAGACCTATTGCTCATGCACGGGTGGATCCTCATT  
TTGGTCAACCGGCCGTGAAGCTTTTACTCGAGGTGGTGCTCTTGGCCCAAGTGAATATCGCTTATTCTGGTGT  
TATCAGTGGTGGTATACAATCGGTTTACGCACTAATGGGGATCTTAAGACAGGAGCACAGGAACACACCAA  
TCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACACAT

>trans\_c\_5391 AY193423|Lactuca saligna genotype PI491204 60S acidic ribosomal protein P3 gene,  
partial cds

TCCACTCCATACTCACTCCCTAATTCTCTTCAACCCAAATCTCCATTCCAACATCGAACCAAACAATGGGAGTTT  
TCACCTTCGTCTGTCTGGAGCTCCGGTGGCAAGTGGACCGCCAATCAGTATTCCGGTGACCTTGAAGGCTCCGC  
CGACTCCACCTACGAGCTCCAGAGGAACTCGTTCAATCTGCTCTCTCCGTCGATTCTCCGGTGGCGTTCAGT  
CCTCTTTCTCCTTCACTACTCCTACCTCCGCCGTTTTCCAGGTGATTGTTGGCGGTGGAGGTGGTGGTGGTTTCA  
TAGGCGGTGGGGCTGCAGCTGCCCCCTGCTGGAGGTGATGCTCCAGCTGCTGCAGAAGCCCCAGCTGAGAAG  
AAGGAAGAGGTGAAGGAAGAGAGTGATGATGAAGACCTTGGCCTATCACTTTTTGATTAGTTTGGTATTAATT  
ACTTGTTATTGTTTTATCAAACCTCAGAGTTTGTAGCACTCAGGTTTTCTTTCTGGAAATTACGTCTATGCATT  
TACTTGAATTTGCAAGTTCAGTTGATGTTCTTGTTTAAGGACGTAAATTTTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5392 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

TTCACAATACAGGCTTTCAATTTTTACTGACGGTGGTTTCTAGCTGGCATGCTGTTTATTCTGCATATCAAGTT  
TACAGTTAGTGAGTGGACATTTTGCTATATAATTGTCCATTGTACCTACCTCCATTTTATGGGGACCGAGGATT  
TCATTGCATTGCCAGCTTCCGGAGATTCTGGAAATGAAACGGAGAGTAATGAATCTCTTACTTTAATGAAACA  
AGAGAAGCTTATTCTCAATCAAGTGTTTTGAAGTGCAAGGATGATGATGCAAGCATAGAGAAGGCTGAGCTT  
GTAGATGATGTACAGTTGGAAGATATGCATTGCGTACCCCAATCTGACCTGTTGATGAAACACAGCGTTCTG  
ATTGAGATATGGAAATTGAGGATCTGAATAACCTTCCAGATTTTAGTAAGACTAGAAGTAGAAGTGAGAATAG  
TGAAATACTGAGCAAAGCTGAGGACCTGCCAGTCAACTCTGCAGATGGGAATATACTACCAAGCAATGAGCC  
CTTGACGACAGAAATGAGCTTCATACAAGATATGAAGATGTTTGTCATGTTGAAAGCCAAAATTTTCAGAAGGAC  
TTGGTCGATAATTCATCTTCTCGAAAACCTGGTGGTCAATTGACTGTAATGA

>trans\_c\_5393 EU714070|Thellungiella halophila ST19 mRNA, partial cds

ATCGCATGAAGAGAAAGAAAGACAAAACCAAATCCGAAAGCCAAATGTCTCAATAGGAACCTCAAAGTAAAA  
TGAGAAGAGAAACAAACCGAGAGAGAGAATTGAATCGCCGATTAGTTCACGAACATGCTCGAATTGGCTACA  
CCGCAAAATTTCCCTTACATTATTTCTGACGCCATTTGAGATCTGTTTCTTATCCTTCTATTTTCTTTTGTGCAAA  
TCAACTAAAATCTTCAGTAACCAATCGCCGGCTCTTCAGTTACCCGCTGTTGGCACCTCAGAGCTTTGAATCAA  
GTTACTTGACGTATCGTAGGAAGAGCTTTGTGACACTTGTAAGCGAGTCGGAGAGAGTCACCATACGAAG  
TGCTTGGTATTTCTCAACCGCAACTCAAATGAAATCAAAAGGGCTTATCGGAAACTGGCTCTGAAGTATCAC  
CCCGATGTTAATAAAGAGCCTAATGCACAGGAGAAATTTATGCGTATTAACATGCATACAACACATTGCTGA  
ATTCTGAATCTCGAAGGAAATATGATTATGGGAATCATGGATCTGATTTTTCATATTCATCTGCCCCACGTAGC  
CAAAATAGAAACACCCAAGATGAAGAAACACTTTACGGACTCGGGGACTT

>trans\_c\_5394 Novel Gene

AATATATATCTAATGTAATTGTAAAGGAAACAGTAATCTAGTTTTGTCCACTGCCACCTTGACGGCTGCCGGC  
TGGTGCTGCTTGATGCTCTGTTGTTTCAACAATTCCTCTGTCTCTGTTTCTTTGTAATTCTATGTTGAAT  
TGAATCTATGTTAGGGTATGGGAAGTCAATTAATGATCTGTACTTTTCTACCGCCGTAGCCAGATTGAAGAG  
AGGAGGAGTACGGGGGTGGTAGCCACTGGCGGATCTAGCATAGGCCCGGGGGGGCTCGAGCCCCCTCTCAA  
CTTTATTGCTATTATATAATATATAAAAAATGCTACTTAATTTCAATATTTACTATTAGCTTAGTGGTTGCTGT  
GATTGTCAGCCCCCTTCCACCTAGGTTCAAATCTTACCTATGTAATTTATTTTTCATATTTTCTTCCAGCCCC  
CGTCAATATATTTTCTAGATCCGCCACTGGTGGTAGCGGCGGGGACGGTGGTGGCCGTTTGGAACTTTCTG  
GCTTCTGCTTTTCAATTAGGCCTTGTAATTTGTGTCTATTTCTTTAATCATTTTTTCTAATTAATAACATTT  
TGCTCTTCTCTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5395 Novel Gene

CTCCTCTCATCTCGCTCAGCGCTCTCGATTCTGGTTGTTCTGGTTTCGTGCAAGTTTCCATCCAAACAAGGTTCA  
TGGTTGAATTAGATTTCCAGATCCCATCTGCGTTTGATCCATTTGCCGACGCCAAAGATTCCGGATGCCCCCGGA  
ACGAAAAGAGTATGTTTCATATTCGCGTCCAGCAAAGGAACGGCAAGAAGTGCTTGACAACAGTTCAAGGTCTG  
AAAAAAGAGTTCAGTTACGAGAAGATTCTCAAAGACGTGAAGAAGGAATTCTGCTGTAATGGTAACGTTGTG  
CAAGACAAAGAATTGGGGAAGATAATTCAACTTCAGGGTGATCAACGCAAGAACGTCTCTCAGTTTCTTGTTCT  
AGGCTGGTCTTGTCAGAAAGATCAGATCAAGATCCATGGATTTTAAGCAACCTTCTGCTTGATGTTTTATCTT  
ATGCTGTTGAATTGGAAGTATTGAACGAGTCTTGATGTTTTTTCTTTCTGTTATCTTTTTCTTTTCAATGGATT  
ATATGTTGGTGTGTGATGATGGGAACCTACTATCAATGAAGCGTTTGATTTTGAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5396 M32604|Tomato ATP-dependent protease (CD4B) gene, complete cds

ATACACTTTTGATAATGACATCGAATGTCGGAAGCAATGTAATAGAGAAGGGAGGTCTGCAGAATAGGGTTCTG  
ACCTCGATTACGATGAGAAGGACAGTAGTTATAACCGCATCAAGATGTTAGTGACAGAGGAACTGAAACAAT  
ACTTCAGGCCTGAGTTTTTGAACAGGTTGGACGAAATGATCGTGTTCCGTCAGCTCACAAAAGTATAGAGGTGAA  
GGAGATTGCGGATATAATGCTGAAGGAGGTATTTGATAGACTAAAAGGAAAAGAAATTGATCTTCAAGTTAC  
CGAGAGATTGAGAGAGAGGGTAGTTGATGAAGGATACAACCCAAGCTATGGTGCCAGACCATTGAGAAGGG  
CAATCATGAGACTTTTGGAGGACAGCATGGCTGAGAAGATGCTGGCTAGGGAGATCAAGGAGGGCGACTCT  
GTTATTGTGGACGTCGATTCTGATGGAAACGTGACAGTTCTCAACGGCAGCAGTGGAGCTGCACCCGAGTCTT  
TGGCAGATCCTATTCTGTGTAACCTGTAAAGGTACGCGAACATTTTATTTGATAGAGAGAATAAACAATCTTA  
TTGTTTAAAGTTATGAAATGAAATGTATTCCATCCTTGATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5397 NM\_001187092|Oryza sativa Japonica Group Os04g0521200 (Os04g0521200)  
mRNA, complete cds

ACTTTCATTATTCGTTGTTCTATTCTAATCGAGACAGGAAGATGCATCTATGGCCTTCAACAAGGATCAGAGACT  
CTTTCAGCATGCTTACATCAAAAAGTTGGAATGGAACCTCCACAGAATGAAAATCCAAAAGCATCAGCACCA  
ATCTTCTAGCAAACAGAACTTGTGGATAAAGAAAACGTTTCTGATGCTGCTGACCGCCAACTTCACACCGTT  
CTCCTTCAGTTTCTTTTGGTCAACGAGTACTTGAATTCTTCTCAGAACTCCTTCATCTTCTCTCTGTTGTTACTG  
CTGCTATTGCTGCGGAGCTTGCCTCTCGGACCAAGAAGAACAGTAATATTGACGAAGAATAGAAGCTTGCAAT  
TGATAAACATAGCTGATTGATGCAGATGATATTTACATTATGTGTACTGTATAGTACTCTTAGCCATTGACAGG  
TAATTCTAGCATTATGAACACTATATTGATCTCCTTTTCTTTTATTAGGTTGAAGATATTGTTAAACCGATAACC  
AAGGAATAGTATATACAGTCAACTTGGATCTAGAAGCTGCCTACATATCTCAGTTCGTCTAGACACGCTCTAAA  
AATTAAGCTTCTCTTAAAAANAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5398 AY254348|Nicotiana attenuata lipoxxygenase (Lox2) mRNA, partial cds

CATTCAATATGCACATTCTGGCTATTTTCCAAACCGACCTAGTATTGCAAGGACAAACATGCCACAGAAGACT  
TTGACCAAATTCCAGAAGCGTTTATAACAATCCTGAAAGTGTGATACTTGAAGCCTTCCCTTCAATAGCTCAG  
GCTTCTACAGTGGCACAACTATGTTGATATTGTCAGCACATTCTCCAGATGAAGAGTATATTGGGAAGAAGA  
TAGAGCCAGCCTGGGCTGAGGACCCACGATAGCTAGAGCCTTTGACAAGTTTAAATGAAGTTGGATAAAC  
TAGAAAAGACAATTGATCAAAGGAATGAGAACAGTGAATTGAAGAACAGGCGTGAGCTGGGCTTGTGCTT  
TATGAGGTTCTTAAACCAACTTCAGGTTTTGGGGTACAGGAAAGGGAGTTCCATACAGTGTTTCTACTTGACC  
AGTCTCTTGTCTTCTTCTCGTATTCTTGTCTTTCAGCCTTAATTGCTCCTTTTGATTTTATTTGGCAAAAA  
TAAGATGTAATTTTCATTTTGTCTCAGTGTCTTTTGCCTCATGAGCATGGTTTTATTAATTAATTAATACCA  
AGTAATTTATATATCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_5399 XM\_002882529|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata KH domain-containing protein, mRNA

TACTACAGGTTGTCGTGGATACATTCGAGGGAAAGGGTCAATAAAGGATCCAGACAAGGAAGAAAAATTACG  
GGGACGACCTGGCTATGAGCACTTGAATGAACCGCTGCACATCTTGATTGAGGCAGATTTGCCAGCCAATGTT  
GTTGATATACGGCTCAGACAGGCACAAGAAATTATAGAAGAACTGCTCAAACCTGTGGATGAGAGTCATGAT  
TACATTAAGAGGCAGCAGTTACGTGAACTCGCAATGCTAAATTCAGTTTCAGAGAAGAGAGTCCAGGACCT  
GGTGGCAGCGTCTCTCTTTCAACTCAAGTGGTATGAAACGTGCCAAAACAGGTCGGTAGGTGCTCAATATCA  
TTCCGTACCATAAACAATTTCTACCCAGTCCAAATTTGGTCACTTATATACTGTGAAGTGAATCATGACCGAC  
CGTGTGACATAGCTACGAGAAAGGGGAGGCTAACTTCAGTTCCTGGCGAGCCTTCTGTTGGCTTTTTCTTTGT  
GTTCCCTTTAATATTCTTGACAGATAGACTGGAAAAAGTTGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAGG  
GGGTGAAAAGGAAAAAAATTGTTAGTAATAGTAGGGATGGTTTTTCATGTTGG

>trans\_c\_5400 AF479108|Cucurbita pepo 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GACTTCTGATAATAAGTTAAATGTGGACTTTTCTCCTCCCCGCGCCCGCTCTGGTGAGAGCCCCGTTGCGCTC  
GGACCTGTGCGACCACGAGGCGCTGTCAACGAGTCGGGTTGTTGGGAATGCAGCCCCACGATTGCGGTAA  
ATTCTGTCCAAGGCTAAATATGGGCGAGTTTTGGGAACAAACCAACGGTGAGGATTGAGGGTTTTGATTGCCT  
TGATAGGGATAGGCAAAATTGCAGCATCCCTGCTTTCGCCTAAATACAAAGACAAAAGTCATCTTCGTATTA  
CAGTTTCAAGAAAAGCAAGATTCCCAATACAAATAGAAGAAAAAAGATTCAAAAGAGATGAGTCTCTCAA  
GAGAAGAAAGGTTACAATTACAATTTGCCTTCTTTTTGTGAATATGTTTGAAGTGTCTTTGTAAATGTAAATA  
AAAACTTGCCCATGTATACTAAAGCTGTGTATTTAAGGCTTTTCCCTTTTCTTTCTTTGAGTTGAGAAGA  
ATGCGACGAGTGTATGTCAACCTCTGTATTATTTTTGTAATTAGAAGTCTTAAGGTTGAGGAAATTTTCATT  
AGAAAGTTCAAAGTGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAG

>trans\_c\_5401 NM\_001053547|Oryza sativa Japonica Group Os02g0529400 (Os02g0529400)  
mRNA, complete cds

GTGTGGTGGCGTTGGCCACGAACCTGCATTGTGGTATGACCATGGCGTGTTCTTGGGATCGCTGCCAGTGAT  
GATTTGCCATTCTGACCTTCAAGAGCAGGGTAACAAATTTGAATGGCATGTCTGCAACTAAATCCCCCATT  
TGAATTCAATGAGATCCAAAATGGCGTGGGATTGGCCTATTGTAGCAAGACTACTTACGATGGACCACAAATT  
TCCTAGAGAAAAGAACCGGAAATCCATGTGAGCCGGTTGCAAATTTCCAATCAGATAACCTCCTTTAGTAGGC  
ATCCATTCCACCAACCAAGAAGGAATTTGATCTGGGTAGATGTTGAATTTGTTGACTGCATCGTATGAATACTC  
TTCTGTCTTGTAAACGATAAATTTCAATCAGTTTTTGCAAATCGACCCAATAATACTCTCTGATATGAAATGAAAG  
AGCCACCAGACGATTGTTAAGTGCACGGATAAGATCAGCTGATCCGTCCTCAGGAGTAAGCATCTCACGTGCA  
CAAATAATGCTGAATAAAAAAGTGCTTGGATTTGAGAGGATGACCATGAATCCCATACGACGATCTATCA  
TACAAGAGCCGTCAGTTACCAATAAAGTAGGGAACATATCACAACCATC

>trans\_c\_5402 AB525662|Jatropha curcas DNA, microsatellite marker JGAA47

CCGTCTTTTCCGTCCCATGCGGCGGCGCTTATGGAAGAGCGGGAGTTTTTTTTTTTGGAGATACTAATTACCAGA  
CGATGATCGGTGTCGTCGTCGTTGGTTTTGATGGTAAAGTTTTTCGATTGATCTGCCCCGTGGTTCTCGTGCT  
ATGGACGGCGGCGCTCGTGGTGCTTCTGTGGTGTGCGCGCGCTTCTCCACCCCCATTGCCGGTTCTTCTTG  
TGCCTGTTTTGATATTGGGAATTTGTTTTTTGTGCTTCTCCACTTCTCAGCTGCCTGATACGTACGGCCATCA  
TCGTTTTTCTAATTATATTCAAATTTCTGTTTTTCTTTTTTCTTTTTCTATTTAGAGTTACATTATCATCGTTT  
TGTATACTTTTTTTTTTTGTAATGTATATATACCAATTTCTTGTTTACAAAAAAGAAAAAAGAAAAAAGAAAAA  
ACTATTTTTTCTGATTTGAGTTTGGTAGAATGTAAGGAGTAATGAAATGTTAAATTGGAATAAAATAAACAAA

ATTACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAACCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5403 FJ185424|Corylus avellana isolate cav.tr.RNBSD.118 NBS-containing resistance-like protein gene, partial cds

TGGAAGATGATCTCTGTGTAGGATCTCGGATGTTCTGTTCATCCTTACCTCTTGGTCGCGAAAACAAGATGAGT  
AAGTTTTTCCCAGCAGCGTCTACTCTACCAGGATGTGCTCTGCCCTGTGTAAGTGCAGCTCTGCGATTATGAC  
AAAGGGGAGCACAACTTGATCAATCTGTGTAGTGTGGAAGTTAGGTGTCTCTGTTATAGTCCCGATATCTT  
CATGAATAAAGCTACCGTTGGCCTGTGATGTTCTTTCGAAGGCCACGTGCATTCTCAGAGTTATCTCAAATCTT  
TTGGGGATTGGACAGTATCCTGTGCTTTATACGGTCTACCAAAGTTTGTTGTCTTCAACATTTCTGCATTCTTG  
TTTCTTCATCTAGCAGTACGTTTGCTTGTTCGTAATACCTGTGAACGTGGGGAATCAAATAACAATAAATGTG  
TTATTGTATCTTTCGAAGTAGTCGTGTACTTCCCTCTTGCTGGACTAGTTCTACCGTCATTGGCACCACGAACT  
TGCTTCTTATTGTTATGAATATGATTATAAGATGGGAATATGTTTGCAATAGTGTCTTCTATGCTAAGGAAA  
ACGATATTTGGAAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5404 NM\_001069620|Oryza sativa Japonica Group Os09g0392000 (Os09g0392000)  
mRNA, complete cds

CCTCTCTTTAGTAGATGTCTTACCCCTGTTTTCCAACACCATTGTTTTGGGGGCAAAATGCCAATTTAGCTTTCCTAA  
GAAGCATATGGGTGCTACATTTGAAAAGCGATCCCAGCCATGGAAAGCAACTATCAACCCAGATGATGTTTCA  
TCTGGTGATTTCTTAGCCGTGTCCAAATACGTGGACGGTGGGGAGGCTTTGAGACATTAGAAAAATGGGTA  
ACTGGGTCTTTTGTGGTCATACAGCAGTTTGCTTGAAGGATGAACAGGGTAATCTTTGGGTTGGTGAATCAG  
GACATGAGAATGAGAAGGGTGAAGAAATCATTGTGGTTATTCCATGGGATGAATGGTGGGAGTTGGCACTCA  
AGGACAACCTCAAATCCACAAGTAGCCTTGCTTCTTGCATCCACAGATGCGTGCAAGGTTCAACTCTTCTGCA  
GCATGGGAATATGCTCGAAGCATGTCTGGGAAGCCATATGGTTATCATAACATGATTTTTAGTTGGATTGATA  
CCGTAACCTGACAACCTTCTCCTCCTCTTGATGCTCACTTGGTTATTTCTGTGCATGTCTATGTGGACTAGGTTGC  
AGCCAGCATATGCTGCAACATGTGGAATGAGGCTCTGAACAAGCGGC

>trans\_c\_5405 NM\_120019|Arabidopsis thaliana ATP6 (FARNESYLATED PROTEIN 6); metal ion binding (ATFP6) mRNA, complete cds

ATTTCCATTGCAAAGTGGTAAAAAAGATCTCCAAATATACAAAGGAAAATGGGAGTTTTGGATCATTTGTC  
TGATTATTTTGATTGCTCTTCTCATGGCTCTAAGCACAAGAAACGCAAGCAATTGCAGACGGTGGAGCTAAAA  
ATTCGAATAGACTGCGAAGGATGTGAGAGGAAAGTGAAGAGAGCGTTGGAAGGAATGAAGGGAGTGAAGC  
AAGTGGACGTGACCGGAAATCCAACAAAGCCACCGTAGTAGGCTACGTGAGCCATCCAAAGTGGTGGCGC  
GTGTAGCTCACCGCACGGGGAAGAAAGCCGAGCTGTGGCCCTACGTTCCCTACGACGTGGTCGCACATCCGT  
ACGCGCCGGGAGTCTACGACAAGAAAGCTCCGGCTGGGTACGTGCGAAAAGCGGATGACCCAAACGTGTAC  
CAACTGGCACGTGCGAGCTCAACTGAAGTTCGTTATACGACGGCGTTTAGTGACGAAAATCCCGCGGCTTG  
TTGTCATGTAACGGTTGTCCCTCACTTTTGTAATCCGCTGTAAAAATAAGGCATCATTATAATAATTTCTTT  
TGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5406 NM\_180284|Arabidopsis thaliana ARC5 (ACCUMULATION AND REPLICATION OF CHLOROPLAST 5); GTP binding / GTPase (ARC5) mRNA, complete cds

AAGGCTAGTTGATCTCTTAGATTGCACGCTTTGGAACAGAAGACTTGCTCCTTCATCTGAAAGAATTGTTTCATG  
CTCTAGTACAGCAGATATTCCATGGAATTAGAGAATATTTCTTGGCTTCTGCAGAACTAAAGTTCAACTGTTTT  
CTTCTAATGCCAGTAGTGGACAAGTTGCCAGCACTTCTACGCGAGGACTTAGACTCTGCTTTGAAAATGAACT

GGATAATGTTTTCGATATCACGAATTTGGTACACTCCTTGAGCCAGCGAAAGCGCGATGCTGAGGTTGAACTG  
AGAAGGATTAAGAGGCTCAAGGAGAAGTTTAGAGTGGTACATCAGCAGCTCATACTGCAACAATCCAAGCCT  
GAAATGAAAAGTGGAGAAGGTGATACGAAATGAAGCGAAAGGGAAAAAGGACGATCAAGAAATCATCTGTT  
GAGATTAAGTGTGCCACTTCTGATATGTTTCTGATATGAGAGTAGCATGTATAATAGGTAATGTGTTTAAACAT  
ACTGATATCTTAGTTTTGTTGTAGCCAAGCATCATTTTATACAATAGAAAGAGTGAATATCAACAAGAGTTTAA  
GCAGGCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5407 AF311223|Zea mays C2H2 zinc-finger protein (SE1A) precursor RNA, partial cds

TATCAAGACCTAGATGCGCCTGAGGATGAAGTCACTGTAATAGATTATAGAAGCTTGTAGATATTTGGCATCA  
GCAAAGTTTAGAGGCCCGCTTGTGTTTCTAAGAAGGGGGGATGCAACTCCAAAAGTGGTACGAATTCGGCAT  
GGTCACTGTTTGATATTCCTTCTTGTGCTGAGAAGAGGTTTGCTTTGTTTCACCCATAAGTGAGAACTGAAC  
TCTGAGTTGATCACATTCTGGATGTGGGCAAGTACAAATACCTTCATGAGAATTGTGCATTCATTTAACTTTAA  
TTTTCTTTTTCTTTTTGTCCACTCTGTATTTTTAGTGAAAAGGCATTCAACCAGAAAGCAAGAGATTTAACAAT  
CGAAAAATTTCCAGTCTTTGAATTGTAGAACTTAAATCTTCCGAAGTTAGGAGTGTGCATTCCTTATTTAG  
TTTTATATTTTTTTTGTCTACTATAGTCGATTTTGGTGAAAGCAAGAACTAGTAATAAAAAATTGTGGATATTAA  
ATCTTGTTTCATGGACCTTCTAACTATTGTAATGTTAGGATGCTATATTGTTATATTTTAGAGAATATTCAAGT  
CCCCATTTGATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5408 AJ225027|Cicer arietinum mRNA for ribosomal protein L24

CCACCATGGTGTGAAGACCGAGCTTTGTCGATTCACTGGTGCGAAGATATATCCCGGTAAAGGAATCAGATT  
TGTCCGGGCTGATTCACAGGTTTTCTGTTTGCTAACTCCAAATGCAAGAGGTACTTCCATAACAGACTGAAGC  
CTTCTAAGCTCACCTGGACAGCAATGTACAGGAAGCAACATAAGAAGGACATTGCTCAAGAGGCTGTAAAGA  
AGAGGAGACGTGCCACCAAAAAACCCTACTCAAGGTCCATTGTTGGTGCTACATTGGAGGTGATCCAAAAGA  
AGAGATCTGAGAAGCCTGAGGTTGCGATGCTGCAAGGGAAGCAGCCCTCCGTGAAATTAAGGAGAGAATT  
AAGAAAACAAAGGATGAAAAGAAGGCAAGAAAGCAGAAGTGATGGCCAAAACACAGAAGACACAGGGGA  
AGGGTAACGTTGGTAGGGGAGCTGCACCGAAAGGACCAAAGCTTGGTGGCGGCGGTGGCAAACGTTGAACT  
CTCTATGCTGTAAGCTAAGAAGAGTAGTAAGCTTTTGATCGTCTTCAAATAGCAAGCCTGAGTAAAAGATAA  
TGTTTGTTTATTCCAAAATTTGAATGGATCAATTATTGCACTTATGTTACACATAT

>trans\_c\_5409 NM\_180415|Arabidopsis thaliana AGG2 (G-PROTEIN GAMMA SUBUNIT 2) (AGG2)  
mRNA, complete cds

ACGCAACGACAACAACAACAAGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAACTTCCCATTGCTCTCTTCCATTTT  
TCTCTTCTGCCACTCATGGCGGAAGCTGCTGTTCTATTCTCACCAGGACACTCTCCTTATCCGCCCTTGACGCC  
GTCGGAAAACATAGGTTGCTCGCTGAAATGAAGCGCCTCGAGCAAGAGGCTAGATTTCTAGAGGAGGAGCT  
GGAGCAGCTTGAAAAATTAGACAAAGCATCGGCATCATGTAAAGAGTTATTGGGCAGTGTAATAATGAGATC  
AGACCTCTACTTCCAGAGACTCTCGGCCCGTTAATCCAGTTTGGGATCAATGGTTCGAAGGCCCGAAAGAT  
TCAAATCGATGCCATTGTCGATGCAGATGCTGGATTCTGTAACCATTTTGTGTTGATTATGTATACAATTTCTGG  
TTCCTACAAAATGCGAGGTCCTGATTGCCAAATGAATTTGAAAGAGCTCTATCATGTGATGATCTTTGGCAATC  
TCAAGATTCATCTATTTCTGTGTTAAAAGGGCTTTCACATTAATGGATGTTGTTGTTGTTTCAAAAACAATT  
TTTATAGGGTTTTGTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5410 Novel Gene

ACTCTTCCAATTTCTATCCCCAAAATCCCTTTCTTCCATCTCATAATTTCCCCAAATTTCACTTCTCCGATGTGTC  
CTCTCAGATTCATCCTCGTTTTCTCTCTGCAATTCTCGCCGATACTTCGCCTGGAGATCCGCTTCTTCTTCTTC

>trans\_c\_5411 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

>trans\_c\_5412 AF325006|Arabidopsis thaliana AT5g28750 (AT5g28750/T32B20\_40) mRNA, complete cds

>trans\_c\_5413 GQ997207|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 16S ribosomal RNA (rrn16)  
gene, complete sequence; chloroplast

ATAACGAAAATGAGAGGGAATTTTAAACAGAGCGGTGAAATGCGTAGAGATCGGAAAGAACACCAACGGCG  
AAAGCACTCTGCTGGGCCGACACTGACACTGAGAGACGAAAGCTAGGGGAGCGAATGGGATTAGAAACCCA  
GATAGTCCTAGCCGTAAACGATGGATACTAGGCGCTGTGCGTATCGACCCGTGCAGTGCTGTAGCTAACGCGT  
TAAGTATCCCGCCTGGGGAGTACGTTTCGCAAGAATGAACTCAAAGGAATTGACGGGGGGCCGCAACAAGCG  
GTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAAATATAAAAACTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTG  
TCCTTAACGGGATGGTAATTTCATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCGTAAGGTGTTGGGTTA  
AGTCCCGCAACGAGCGCAACCCTCGTGTTTAGTTGCCCAATTTGTGCCTAAGGATCAAGTCTTGCAACCGAA  
GTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCGACTAATTGAGTGCCACGTGCATCTGACGCTGTCAGTCAG  
AAGGGAGCCTTATCCTTTCGAAGGAAGCACTTTCGAGTGTGCGCTCGCGCTATATA

>trans\_c\_5414 NM\_001056303|Oryza sativa Japonica Group Os03g0285100 (Os03g0285100)  
mRNA, complete cds

[illegible]

>trans\_c\_5415 GQ998241|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 cytochrome b6/f complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

GATGGCACGCGACAGCCGAGTCTAAGGGTATGGGTGCTAATTATTACGGAGAACCCGCATGGCCCAATGAT  
CTTTTATATATTTTTCCAGTAGTCATTCTAGGTACTATTGCATGTAACGTGGGCTTAGCGGTGAGCTCCAACGA  
CCGTGGGTGTGAACCCGAGATCCATTTGCAACTCCTTTGGAAATATTGCCGGAATGGTATTTCTTTCCCGTAT  
TTCAAATACTTCGTACAGTGCCACGCGGTGGCGGTTTGTGGAGTTTAATGGTTCCGTACCGGCGGGATTATT  
AACTGTACCATACCCGGAGAATGTCAATAAATCCAAAATCCATTTCTGTCGTCCAGTAGCGACAACCGTCTTTT  
TGATTGGTACCGCAGTAGCTCTTTGGTTGGGTATTGGAGCAACATTACCGATTGATAAATCCCTAACTTTAGG  
GCTTTTAGCCCGGTTAACTATCCTTCACGGCATACTGTGAGGTTTTTCAGCGAGAAGCCATCGAATTAGAATG  
TTGTTCCCATCCGCCAGTCAATTCCGCTGCCGATTGTTTTCTACACTGGAGCGATTGGTTTAGGGGGATTTTTC  
TGGTCGGGAATCCTCATCTGGTTCATGCGCCTTGGCCGTACAG

>trans\_c\_5416 XM\_002870228|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin family protein, mRNA

AGGATCCCTAAGCAGAGAAAAAGAAAACAATGGCAACTCTTCATTTTGTTCCCTTCCGCTTTCTCCCTACCAAAC  
AAAAGCAACCCATCAAGCTTTCCTCGGTCAAACCCACTACTCACATAAGCTGCTCACGACGGCGCTTGTTGGT  
CCGGTCGTACAAAGTAGTGATTGAGCACGAGGGGCAGACCACCGAGCTTGAGGTGCATCCCACGAGAGCA  
TATTGAGCAGTGCATTGGACAATGGCTTAGAAATTCCTCACGATTGCAAGCTTGAGTTTGCATGACTTGCCCT  
GCTCGCCTTGTCAGTGGCACCGTCGACCAAAGCGAAGGTATGTTGAGCGATGACGTCGTGGAACAAGACTAT  
TCGCTTCTGTGCGTGGCTTATCCTCGCTCAGATTGCCACATTAAACCATCCCTGAGGAGGAATTGCTGGCACT  
TCAATTAGCGACGGCTAATGACTAAATCTGAGTACTTCTCGGATGATTTGTAGATTTAATTCTTGTTAGTT  
TATAACTATATTGAAATCAATCTATCTGGGATGTTGTCTCTTTGGCTGTTGTTGGACATTTCCGTATAATGAT  
AAATCTCTCGATTGATTCCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans c 5417 XM 002331297|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP72A43), mRNA

TGGACGATGGTTCTACTTGGTCGATACTCAGAGTGGCAAGATCGAGCAAGAGCAGAAGTCTTGGAGGTTTT  
GGCGATAACAAGAAATTGGATTCGATGGTCTAAGTCGTCTAAGAGTAGTAAGTATGATACTAAATGAAGTTC  
TCAGGCTGTACCCTCCAGTTGGAATGTTAGCTCGAGAGGTTTACAAGGAAACAAAGTTGGGGAATTTGACATT  
ACCTAGTGGGGTATCAATAGGAATACCAATCTTAAGCATGCACCAAATCCCAAATATGGGGGGAAGATGT  
ACTTGAGTTCAACCCAGAAAGATTTTCGGAAGGAATTTCCAAAGTAACAAAGAATCAAGTATGCTTTATTCCTT  
TTGGATGGGGTCCTCGTATTTGCATCGGTCAAACTTTGCAATGATTGAAGCCAAAATAGCATTATCGATGATT  
TTGCAACAATTCTCCTTTACACTTTCTCCAACCTATACTCATGCTCCTATCACAAATATCACTATTGAGCCACAAC

ATGGAGCTCATCTCATCCTTCGTAACTATAATAATACTTTTGGTTTTATCCTTTTTCTAAGCTATATAAATA  
GCTTTTTATTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5418 Z25862|S.tuberosum mRNA for T subunit of glycine decarboxylase multi-enzyme  
complex

CTATCCCTTCCTCGAGAAGCTTGTTGTTGCTGATGTTGCTGGGCTTGCTCCTGGAACCTGGAACACTTACTGTCT  
TTACCAATGAAAAGGGTGGAGCCATTGATTCTGAAACAACTCGAAGATGGTCCAGCCATAAGGCGTGTCTGGA  
TTCTTCTCTCAGGCCCCCTGCAAGAAGCCACAGTGAAATTCAGAATGAGGGTGGGAAAAACATTGGAGAA  
GTCACCAGTGGAGGATTTAGCCCTTGCTCTCAAGAAGAACATTGCCATGGGCTATGTGAAATCTGGATCTCACA  
AGGCTGGCACCAAAGTTAAGATAATTGTCAGAGGAAAGGCTTACGATGGTGTGTCATAAAATGCCATTCTGT  
TCCAACAAAATATTACAAGCCAACATAATTCATGTCTACCTATGTTGTCGTGTCCTGTCAAGATTTTTCTGATTT  
CAAACCTTCTCTTCTGACCAAATTCTGTATTTCCAAAATGTCAGAAATGTTGGGGTGTGTTGTTTCAAACCTGC  
ACTAATCCGAACCTGTTGATCATAAAAAATGTAATCTTGCATTGCAACCATTGTCATTTAGCAACAGCAGAACA  
TTCTGCACTTTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5419 CT029647|Poplar cDNA sequences

AAAAGGCTTCCCAGAAATGACGAGGAGAAGGTTGGAGCAGACATTGTTAAGAGAGCATTAAAGCTATCCCCTC  
AAGCTGATTGCAAAGAATGCTGGTGTTAACGGTAGTGTCGTGAGTGAGAAGGTGTTATCCAGTGACAACTAT  
CGATATGGGTACAATGCTGCAACTGGGAACTATGAAGACTTGATGGCTGCTGGAATCATCGACCAACCAAG  
GTGGTTAGATGCTGCTTAGAGCATGCAGCTTCAGTGGCAAAGACATTCTTGATGTCAGATTGTGTGGTGGTG  
AGATCAAGGAGCCTGAACCAGTTCCTGCTGGTAATCCCATGGACAATTCTGGATATGGGTATTGATAAGAGA  
GTTAGAAGTTAAGAGGAAGAGAGTAATAAGGAAGAGAGAGCCATTCCATGGTTGAAATCGAGGAGGAAGAT  
GAGAAATAGAAATTCATGGGGTGAAAAAAAAAAGCCAATTTTCTTTATTTTGTAGATTAGCCACTTCTT  
TGTA TAGAGAGATAGAGACCTTAGATGAGAAAATGTCAAAGCATTCAAAGAACATAAGAATGATTGAGAG  
CATCCATCTTCTTAGTAGAATTTAATGATTGAGAGCATCTTCTCCCTTAA

>trans\_c\_5420 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAATTCATAAAAAATTTAAATACGTGTATATAAAAATTAAAAATACAA  
AGTACTGAAAACATAATTTCTTTGTACCTAAAGAAATCTAAATGAAAAAGATGGGTGCAAGGGAGCTATAA  
ACTAAATTCAAATACAGGAAACATAATGCAACAACAAAAATACGAGACAAGCAATGGAATAGGACAAACAA  
TCACGCGTCATCTTGTAAGATGACCTTACAGTAGTCCATCTTCATCTCCTCGGGTACGACCAGGAATGCTTTCA  
TGTCGGCCAAGTCTGCATCAGCTTCCTCAGGCACCGTGCCCTATCCAATCCACTTAGCTCAGGAATAACCCGC  
AACTGTCTAATGACTTCCAATCGGGTTCGCTCTTCGTCTTGCATAGCTAACTTTGGCCACTCTGCAATGGTCCTC  
AATTGGTCATTGCACATTCTATGGCATCACGAATGACATTCACAATTTCCACATTTTCGTTTAGTAGTTGTCC  
AACATCATCAATAACACTAACAGACGTTGGAACACTGTGAAGATGGCTAGTATTGTAACAATGTTTTCTGAGG  
CCATTGCAAGGTAACGACTAACACAAAATGGAAATTCTA

>trans\_c\_5421 NM\_001060746|Oryza sativa Japonica Group Os04g0670200 (Os04g0670200)  
mRNA, complete cds

TGCTGGAACCTGCTCGAAGAGCAAGAATGATATTTTCGGAGTGAAGGCGATGAGGCGCACTGCAGCAGCAG  
CCAGGCCATCATGGGCACATAGAGATGTGACTGTTGGAAAGAGCAGTGCTTAAAGGGTTTGCCAGCTTTGG  
GGGAGGTCAAGGATGAAAAGACAGGCTCGTTGTTATTGTGGAATGATAACTTCTCAAGGCCTGTATATCTCA  
TATTGTATACCTCCTGGTGTTCGCACATTTTAGTTCTCAATGGGTCGTTTCAGTTATCACACGACGAATGTATA  
TAGGATGTCTTTGAATATGAACACTTTGGAACAGAGACTAATTGCTTTCAAGTTATATTAGCACTCCGTCTCTG

TATAATTCTGAATTAAGGCCAATTGTGGCTGTGCATTGATTATTATGATCTGATGTATCATTTCATTGGTATTT  
GAAACTTCTTTTAGCTTTTCTTATCTGTCCTGAGTAGTAAAGATGAAAAGCACTGCCAGGAAGAATAATAATGC  
TTGGCGGTGAAGCCTTGGTGGATCGGCTATTGTGCCAACGAACATGATTTTCGTCTTGTTCACCTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5422 AF324674|Arabidopsis thaliana At1g79390 (At1g79390/T8K14\_19) mRNA, complete cds

GGAGCAGAGAAGAGAAGAGAAGAGAAGGGCAAAGAATGTCGATTCTGTGGGAGAAGAGCGAAACTTGGAG  
ATGGCTAGTCAGGAAAACCAGAGATTCCAAGTCCTTCTTCACTTCGCCACCGCCTGTGGCCTCGTTCCCT  
GCCTTATTGGCTACTGCGTTATGCAAGCTACTAATTCCACCAACCAACAACCTCGAAGCTCGCCTCCGCCAAAT  
GCTAGGCCTGAATCTCTTATGATGGGGCAAGTAAACCGAGAGAGACTAGCAGAATATCTAGGTGAGCTGCAG  
AGGAAAGAAGACACAAATGATCGCTATGTTGCTGCTTTGGAAGGAAAGACGTTGACAAGGAAGCCATATGTG  
AGAATTCACCAATCCCGAATCAAAGCAACGATGCCACTGTCAAGGAACAACAGATCAAGAAGGAAAAACAA  
TAAGTGGGTATGTGCCGTTGAGATCTTTGGAACGTTTTCTTACTATTTTAGGGGTATATCATTACAGTGCAGGT  
TCTTAAAGTTTAACTTTGTACGAAAATGGTATGATATAAGTTTATAACAATACTCTTCTGAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5423 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S  
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed  
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GCATAGTGATGATGATTTAAACATGTCCGATCAATTTATGACTGGAATATCCCAAGAAGGGAGGTCTCTCCTG  
TACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATGCATGTGTAAGTATGAACTAAT  
TCAGACTGTGAACTGCGAATGGCTCATTAAATCAGTTATAGTTTGTGTTGATGGTATCTGCTACTCGGATAACC  
GTAGTAATTCTAGAGCTAATACGTGCAACAAACCCGACTTCTGGAAGGGATGCATTTATTAGATAAAAGGTC  
GACGCGGGCTCTGCCGTTGCTCTGATGATTCATGATAACTCGACGGATCGCACGGCCATCGTGCCGCGCAGC  
CATCATTCAAATTTCTGCCCTATCACTTTCGATGGTAGGATAGTGGCCTACTATGGTGGTGACGGGTGACGG  
AGAATTAGGGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCTTCACTTC  
GATCTTGAATCTTCTTATAATTCATTCATGGCGGCTTTGCCTACTGCTGGTACTTGAATGTTAATGGTAATCTGG  
TGTGTATATAGATATAAGAGCTTATTGTTTTTGTCTACTGCATA

>trans\_c\_5424 NM\_121108|Arabidopsis thaliana aminoacyl-tRNA hydrolase/ protein tyrosine  
phosphatase (AT5G10700) mRNA, complete cds

TGTGAAGATATCATGACTTGTGTAATTCATCTTCTCGATTCACACTCTCCATCTCCAAATCCATTGGCCTCTGC  
CCATGTCCAAGGTCTAGGGTTTTCCATCTTCTCTCTCTTCTCTCCACTCTTCGATTGGGAAATCCCATCCAT  
TTTGCTCCGCCTCCATGAGTCAATCCGCTGAACTAATTCCGTTTCTACACCGGACGACGCCGGAGTAAAGGC  
GGAGGAGACACCCGACGTTTTGATTCAGTACGTGGTGCTTCGAAGAGATCTGATTGATTCCTGGCCGCTTGGT  
AGCGTCGTAACCTCAGGGATGCCATGCTTCTGTCTCTGCCATTTGGTTGACTAAAGATGATCCCCACACTCCGA  
CTACTGTAATCCAGATAATATCGATTCTATGCATAAGGTTACTCTTGAAGTGAAGGGAGAACTCAAATGGTT  
AACTTATCAGAGAAGCTCAAAGCAAACCTAATCGTTCATAAATTATGGATAGAACAACCAGAGAACATTCCAA  
CATGTCTTGCTACAAAACCTACCCCAAATCTGTTGTATCACCATTTTTTAAAAAGCTAAACTCTGTAAGTGAT  
GGAATATTGAATTGCAATGAATCATGAATAATTCTGCCTT

>trans\_c\_5425 U44386|Solanum lycopersicum heat shock protein (TFHS1) mRNA, complete cds

ACACTCAAATTGCGACACACACAAAAACCCACAACCTCCCTTTTTCTTTCTAAACCCAAAACATTCATTTCA  
AATTAATCAACCATACCTTTGCCTTCATCTTTCTCCACCCTCAGTACCCTCTCCACTCTCTTCAGGCGGGGATAC  
GCGACGGCGTCTGCAGAAGGAGTTGCGGCTAGAATTAGCAGCATTATGAAGAAGAAGGAAGAATCTTTAAG  
AATTGGTAGAGAGAAGATGGCAGTGTCTGTTCCAGACCCGTTACCGGTTATTATAGACCGGAGAACTG  
TGGGCGGAGATGGACGCTGCCGATCTCCGGGCAATGCTCCTAAACCCACAACAAAGTAATTTATTTAATCA  
ATCTGTAAAGCTAATTAAGAACGTAGAATCGAGAGGTTAGCGTGAGAGGAATTAGGATTGGATAATATTGT  
TGGGAGAATTACATGCCACAACACAAATTGGTGAGGTACACAAGCAGATAGGTAGTATTACTCCAGGATCAA  
CCAAATATTTTTCTTACCATCTTTGGAAGTGTCTGCTGTGCTGTTACAATTATTACTATTAGTTCAATAAAATTT  
TTACATATATAGTTGTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5426 Novel Gene

GAACCAACAAAAATTCAAATCCAAGAAGCGAAATATTGAGAAAATTTTATAGTGAAAAAAGGAAAATGAG  
TTCGTCAACAAGAGCTTTGGTTGTAGCAGCCACCGTGGGCGTCTGGAAGCACTGAAGGATCAAGGAATATG  
CCGGTGGAATCATCTGTTAAGATCGGCGCACCACTACGCTAGAAACCATGTCCGGTCTATTTCTCAGGCTAAG  
AAGCTTTCCTCCGCCGTGCCTTCCGCCAACCGCTTCCAACAGTCGGAGGAATCTCTGAGGACGGTCATGTATCT  
TAGTTGTTGGGGTCTAATAACTGAGCGCAACTCAACAAACCGTCCATAGATTACTCTCCGGTTTTGACCGGCG  
CTGGTCAGTTTTCGGATCGTGATCGTAATCAATTGTAGACGGTTGGGCCGCTGTTTTCATTTTTTATTTTGGA  
GGATTGTAAAAGCAATTCACCTAATTATTTAATACAATTGAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAGGGCCCCCGCCCCCGAAAACTAATCAAACCCCCCAACCCCA

>trans\_c\_5427 NM\_118265|Arabidopsis thaliana vesicle-associated membrane family protein /  
VAMP family protein (AT4G21450) mRNA, complete cds

GTTTCGAGATTGTGAGCTTGAAAGTGAAGAGCGACATGGATTACGTGCCTGAACTGTTTGACGAGCAAAAAGA  
TCGTGTAGCAGTTGAGCAAATACTGCAAGCTGTTTTCTTGACCCGGACCATTCTAATCCTGCACTGGAGAAAG  
TCTGTGCACTAGCCGAGGCTGAGGCTGCAGCTGAGATGCGCCACAAGCCTGCTGAAGAAACAGACCCGA  
AAATTGTTGGTGGAGGACTGGTCTCGATGAATGGAAAGAAAGGAGGGAAAGATATCTAGCTAAGCAACAG  
GTTGGAGGTGTAGATTTGGTGTAATTCAGTGGCTTGTGTTAGGGAAGTTGAAATCACATTGATGTGTGAAC  
TTTTCTATTTGTGAAGGATTGCTCATCGACATTAGCAACAAAAGGCGAATCGCTTAACAACCTAGTTTTGTGAT  
GGAGTTTCATGATCTTGTGTTAGTAGTTTGATTGGGTTGCTATTTCTCAAACCTCGAAGGTATTTAGTTGGTTT  
GAAACACTATCACCATTTGATGTAAATAGTGGCTGTGCTGTTGCTCTTTTAAATTAGTTTGAAACAAAATTTG  
GCAAGTCTCATCCCATCTACATTTAATTTAAAAACGCCTTTTCTCT

>trans\_c\_5428 NM\_118743|Arabidopsis thaliana CK1 (CASEIN KINASE 1); ATP binding / kinase/  
protein kinase/ protein serine/threonine kinase (CK1) mRNA, complete cds

TTCTTCTCCTCCTCCTCTTTTTCCCTTCCCGGATGGAACCTCGCGTCGGCAATAAGTTTCGCCTTGGCCGGA  
AGATCGGTAGCGGCTCCTTCGGGGAGATCTATCTTGGTACTAATATACAGACGAACGAAGAGGTTGCAATTA  
AACTCGAAAAATGTCAAGACGAAGCATCCTCAGTTGCTTTACGAGTCTAAGTTGTACAGAATCTTCAGGGAGG  
AACTGGGATACCTAATGTAAGATGGTTTGGAGTCGAGGGAGACTACAATGTTCTTGTAATGGATTTGCTTGGT  
CCCAGCCTTGAAGATCTTTTTAACTTCTGTAGCAGAAAGCTTTCTTTGAAGACAGTTCTTATGCTTGCAGACCAA  
ATGATCAATCGTGTTGAGTTTGCCATTCTAAATCCTTTCTACATCGAGATATTAAGCCGGACAATTTCTGATG  
GGGCTTGAAGGCGTGCAAATCAGGTTTACATCATTGATTTTGGTCTTGCTAAGAAGTACAGAGATAGTTCTA  
CCCATCAACACATTCCCTACAGAGAAAACAAGAACTTGACTGGGACTGCAAGATATGCTAGCATGAACACCCA  
TCTTGGGATAGAGCAAAGTCGAAGGGATGATTTGGAGTCCCT



>trans\_c\_5429 Novel Gene

AACCTATTTATCAGTATTGTATCGTTTGAGGGAGAGCGGCATAGAACCGAAGCTTTTGGGGAAAAATTTACACA  
GAGAAGCTCGAGCGGGGAAGGAGATGGCGGGTGCATTTTGGGGGACACGGGTATTGGAGATTGTGAAGAA  
GCATGATTCTGGAGGTTTAGTCTGGAAGAGAATCAAGCTCACCACAACCTCGTAAAGCCAACGCCAAGAAAAG  
ACTTCATCGTGTTTGGCAGAATGAAGCTGTTTTGAAGGCATGCTCTGAGCCACCTCCGCCGAAATCTTCAGGA  
GATAAAATTGGTCAAGTTGAAAAAATGAGTAGAACTCCGTAGGATCCAAAAGAGTTTGGCAACTTCAGCACT  
GCAGTGCCAAATTTTTCTCTTATCTGAGCCTTTAGAAAGGAAGAGTGAACTTTGTAGACACGATTGATC  
TCAATGACGACACATACTAGTGTGGAATTGCTGCCTGGAGTTTCACATAATTTCTATTTGTTTTGTTATTTG  
AATTAATGTGATTAGTTTTCTTTTCACGATCCTGGCTGCCTCATGAATGACTCGTCTTCAAGAAGTATTTGA  
TATTAAGCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5430 D78172|Spinacia oleracea mRNA for 26S proteasome beta subunit, complete cds

ATTCCGATCATTTCTTCGACCTTGTGGGGTTTTGTTTGGTTCTAGTTTGCCTTACTGTTCTCTTATTGCTCTAG  
GTTCTACCTCAAGGAGTTGAAAAATGAAGCTTGATACCAGTGGTCTTCAAACAACCGCCCCGATGTTTGGGCC  
AAGAATGGAGGCTCTGGAAGGGTTGCGAGCTGCTCCATCCTTTGAGATCCCTAATTCCAGTGACTTTGATGGC  
TTTCAGAAAGATGCCATTCAAATGGTAAAGCCAGCCAAAGGAACAACCACTGGCTTTTATTTTAAGGAAG  
GAGTCATGGTTGCTGCTGATTCTCGTGCCAGCATGGGAGGCTATATATCATCACAATCTGTGAAAAAATTATT  
GAAATCAATCCTTACATGCTTGGCACTATGGCTGGAGGTGCTGCTGATTGCCAGTTTGGCATAGAAACCTTG  
GTGTTAAGTGCCGCCGACACGAGTTAGCGCAAGCGCCGAATTTAGTTGCAGGAGCCTCCAAATTACTTGCCA  
ACATTCTGTACTCTATCGTGGAATGGGTCTCTGTTGGGACTATGATTGCTGGATGGGATGAAACAGGTCC  
TGGTCTATATTACGTAGACAGTGAGGGAGGGAGGCTGAAAGGA

>trans\_c\_5431 BT006509|Arabidopsis thaliana At5g49525 gene, complete cds

CGAAGATATCTTTGTTGTCAATTTATGGTCTGAAGACGGAGAGATGAGCCAGAGATGGTACGCCCCAAGTTT  
CCGGTGGCCGGAATTCGGTTTGTGGCTGCGGTCGGCGTCGTTAGTTGGCCGGATTTCAGTTTCTCGAACTTC  
AGCATCGAGTGGAACCTCTCCGAACATCAGGTGGTTAATTTTTCAATTCTCGATGATCTCTTATGGACCTTCATC  
GCTCTTCTCGAATCCCTAGTTCTTCTTACAATGTTGTGCTGTTTCTTGTGCTGTGGATTACGCTCTGATTTT  
CTCAATTACCGATTAGTATGTTGTATATATATATAAATTTTCTCTTCATCGATTTCAAAATCATCGCAATTAGT  
TACATATCCTCTGTAGTTTTACTGTTTTCGTCAGTATTTGATGGTTTCGTGCTTCATCTTCATCGATTATGGC  
CGGAATCCCTAACTAGAAATTAGAAGGATAATTGAATCTATGTGAACAGCTGTGAAAGATTATATATAGGAGAA  
TTCTTCAGTGTTATTGTTGTGAATGATTTGTTGTGTTCTTAATTCAATCAAAGATGTTTTTCCCTTAAGAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5432 Novel Gene

AGACACTATTACGCGTTACCCGCTTTCTCTAGAAAAATATAAGGGAGTGTCATTTTATGGATATAACGGTACCTG  
GAAGGAATGCTCCTGAGGAAGTGACTCGTGAGTCGTTATCTCCATTTCTTACGAGGAACCAGAAACAATTCT  
CTCTTCAAAGCGACCATCTGAAAAGCTTAGTAGCGAAAACATCAATCTGGCCAACGGAATAAACCACAATCAG  
GTGGAAGGGAAAGAATATGATGGAGATGAGAAATTCAGATCTGAGCTTATTGCAATTTCTTCTTCTGAGTCGC  
TACCTGAAACTGGAAGTGACCTGTGGCCTAACTCAAGGGTTAGTAGTGCCTGGATGTCAGTTATAATAGTAT  
ACCTTCTTATGTAAATCAATACGAACTAAGTTCATGGACGCATTGTTGGACTGTAGAGCAAAGCTATCCAT  
GTTCTTTTGTGTTTGTAACTAACTCTTGCACGGGTTGTTGTCTGTACTAATCTTGTGGAACTCATTGCTGT  
ACGAGCCCAATGAATGAACCTTGCGAACCCCTTGGCATACTCAGCATTGTTCTTTTACATTTGTGTGCTCTTAA  
TGTAACAGTAATAGCCAGACCATGGTGCCTTAAATATTGT

>trans\_c\_5433 BT025554|Arabidopsis thaliana At1g74860 mRNA, complete cds

AGACCATGATACAGCAGTTGTAGGTAAATCTGACTTCGCTAGCCAGGAAAGTTTATGTGGGGAAAATTTGGA  
GGCTTCTACTGATAAAGTTGACCTTGACCCGGTTAAGGAGTCATCAATTCAATTGGATATGAAAACTCTGAT  
GTGATTGATGAGATTCCCTAGTCAACAGTCAAATAATAAAGTTCTCAAGTATACATTCCAAAGAAAGCGAAAGA  
AGGAATCTTTGAGCAGCCCTGATGGTAAATCATCAGTTGATGAAAGCATATCAAAGAAAAGGATGAAGGATA  
AACAAAGTGTATCGTCAGAATCAGACAAGTTTAGCTTAATGACAGAATCATCTCGAGACAACCGTCGGTTGGC  
ACAGGTTGCTCGGCAGCTCATATCTTTGTCTGAGAAGAAGTGGCGGTAGTAGAACTCTGGCTGTCCTGAAACT  
CATATTTGTTGCTTGAGAAATAAAACCAGCTGCAACAAAAAAGGAAAACGCCGAAATGGGCTGCTTAGCAA  
GAAAGTATTGGTTGCACTGCACAGCGAATGAAATGTTTTCCAAGCAAAGTTCCACAGGCCATGAGCAAGTAC  
ACCATATGGCACTATATGTCCACTAACTTATGAATGGTTATGTAATCTTT

>trans\_c\_5434 BT002152|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g74730) mRNA, complete cds

TCAAAAGGAGTATTCAATTTACCTACACACACCATCTTCAATCAGCTTCTTGCAGCCCCACCCAGCACCACAGAT  
CCAATAACAATCCGGCAGCCCCAAGCGCCAATCCACCGCCGACCACCGCCTGCAACGCCACAAGGGGCCACCG  
AATCATCGGGAATTACAACAATCGCCACCAGCGCCGCAACCAAAATGGGCAGTGCAAGAGAAGCCAAAGCG  
GAGGGAGAAGAACTCGCAACTTTCTCGAGCAAGCTAAGAAGCCCTAATTCTTCAGCTTTAGAGAAAACCCCCA  
ATTTCTCAATGGAAGAAAGCGTAACCCCTAATTCCTCCGCCTTCGATAACAACCCTGCTTTTCAACATTGCTAA  
GAACTTTCTTAGTCTCAAGCTTCTTGAACACATCCACTTCACATCCTCCGCACTCTCGTAAAAAATTCCAGCTC  
CAAACCATTTCTTCTCCCAAGCATCGTCATATTTGTTACCTTCTTCTGAGGGGCCATGGCGACGATGGTGAGT  
GGATTGGATCTGGAAGAAGGAAAGGGACGACGGGGATGGTTAGAGATGTGGTGGATTCTGGAAATGGAGA  
AACGGTTGGGAAGGTGAGAGAGAGAAGCAGTGGAGGAAGATGGAGA

>trans\_c\_5435 DQ836316|Prunus dulcis 60S acidic ribosomal protein mRNA, complete cds

ACTCTTTGACTGACGGCTCCGATCTCTCCACTCTTCGTTGCGGCTTCTGTTCCGAACCTTTCTCAAGAATGAAGG  
TAGTCGCTGCATATTTGTTGGCCGTTCTAGGTGGCAACACCAGCCCCGGAGTCGATGATGTGAAGGCTATTCT  
TAATTCAGTTGGGGTTGAGATAGATGAAGAGAGGATCACCTTGCTCCTATCGGAAGTTAAAGGAAAGGATGT  
CACAGAGTTGATAGCCTCAGGACGGGAGAAGTTGGCATCAGTGCCGTCTGGTGGTGGTGCAATCGCCGTCTC  
CGCCTCTGCCGGCGGTGCCACTGGTGGTGGTGCAGCACCAGCCCCAGCCGAGCAGAAGAAAGAAGAGAAGG  
TCGAGGAGAAAGAAGAATCCGACGATGATATGGGTTTCAGCCTCTTTGACTAAGCAACTTATTTGGTGTGCTT  
ATCAGTTAGTGTTTTTAGTTGATTTTCGTTCAAGTTTCCGGGCTTTGGTAGCTTGGTAGGGTTTTTCTTTTTAC  
TTGTTTTGGAACGCAAAATTTTGATAGAGGAAAGTTCATTTGTTCAACTTCAATATTTAGTAATTACTGTCATT  
TGACTAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5436 NM\_115723|Arabidopsis thaliana ketol-acid reductoisomerase (AT3G58610) mRNA, complete cds

TCCATCTGTGAGGAGACTTTATGTACAAGGAAAAGAGGTCAATGGCGCGGGAATTAATTCTAGTTTTGCAGTT  
CACCAGGATGTTGATGGCAGAGCCACAGATGTTGCATTGGGTTGGTCCATTGCACTTGGTTCTCCATTACATT  
TGCAACAACACTAGAGCAAGAATACAGGAGTGACATCTTTGGCGAGCGAGGTATTCTACTTGGTGTCTGTTTAT  
GGAATTGTGGAGTCCTTGTTTCTGAGAGGTACACTGAAAATGGAATGGCGGAAGAGCTGGCTTACAAGAACACC  
GTCGAAAGCATAACAGGAATTATATCAAGGACCATTTCTACCAAGGGAATGTTGGCAGTGTACAATTCCTTCT  
CTCCTGATGAGAAAAAGGAATTCGAGAGAGCATACTGTGCATCATATTACCATGTATGGATATTCTCTATGA  
ATGTTATGAAGATGTTGCCAGTGGAAAGTGAAATCCGCAGTGTTGTGCTTGCTGGTGCACGATTTTATGAAAAG

GAGGGTCTCCCAGCTTTCCCAATGGGCAACATTGACCAGACTCGGATGTGGAAAGTTGGAGAGCGTGTCGA  
CAATCACGTCCAGCAGGTGACCTTGGTCCGTTGTATCCTTTCACTGC

>trans\_c\_5437 NM\_001185717|Oryza sativa Japonica Group Os01g0843700 (Os01g0843700)  
mRNA, complete cds

ACACACCAATTTTTCAAATTCTAATTCTGATTCTCCTCCTCTCGCCACCCTCCTCCACGCTCTGTTCCGGAGTTTCG  
AAGTTTCATTACCTTCTCAAAAACCTTACCAAATAAACCTCTCTATTATGGAATCGAAACAGGAACTGGGACT  
GGGAATTGGGAGGAAGAGTGTTGACGCCGACTCGATGGGAGTGCCGGATTCCGGCGGGGTTTAACTGCCC  
TCCGCCGCCGAAGAAGAAGAATGGAAATGATGGGAAGAAGCGGGAACCACCGAAACATGGCTATTTTCAGC  
CACCTGATCTTGAAGCTCTGTTTTCTGTCCCTCCCAAAGGGAAGCCTGCGCTTAATTTTTATGCTCTGTTTTAG  
GGATTTAAGGAAATGGGTTTTTTCGCTTCTCGTTTGATTACATTGTCCTATTGAATTGTGAATACTTTTGAGAGA  
GTTTGAAAGTTGATTTGGGTTTTTAGATTGCCATTTATGAGAATTTGTAATGAGAATGGAAGAATCTTGGGTT  
GAAATATTGTGGGTTTAAATTGGGGAACATAAAAGTTCATGTTTCTCATTGGACAAATTCGAGTTTAAATCCT  
TACCCACAGTCTTTGATTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5438 XM\_002863977|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT5g49970/K9P8\_11, mRNA

AGGAGAAAACCTATATTTCTCCAGAATTTCTTGAAGAAAATGTAGATGCTGATCCTATTCGTCAGTTGCTGCTAA  
TTTAAGGGAACCTAATGCAATGTCTTTGTCCACAGCTACAAGTGATGGAAAACCATCATCTCGCATGGTTTTGC  
TAAAAGGAGTTGATGAAGATGGTTTTGTCTGGTACACAAATTATGAAAGTCGGAAAGCACATGATCTAGCTG  
AAAATCCTCGTGCTTCACTTCTTTTCTCTGGGAAGGTCTCAATAGGCAGGTAAGAGTGGAAGGATCTGTACA  
GAAAGTTTCTGAAGAGGAATCTGAGCAGTATTTCCACAGCCGTCCTCAAGGAAGCCAGCTCGGTGCAATAGC  
GAACCCACAGAGTTCTGTAGTTCTGGAAGACATTTTCTCATCAATAAGTACAAGGAACTAGAAGATACATTCT  
CGAATGGAAGTTTGATTCCGAAACCAAAACACTGGGGAGGATACAGGCTTAAACCAGAACTTTTTGAGTTTTG  
GCAGGGGCAGCCATCTCGGTTACACGACAGGTTGCAATATTCCCCTTGCATATAGATGGAAAAAAGCTTG  
GAAAGTAGAACGGTTGGCTCCTTGATGGCTCCTCCATCATTACGT

>trans\_c\_5439 X60391|P.vulgaris mRNA for prolin-rich protein (PvPRP1)

ATCACAAAGCCTAAAGCCTTCTCAACCAAACCTAAATTTAATTAATTTGAAGCAAAGTTGGTTGTGGTTTTACC  
TCTCTGCTTTGCAATGAGAACTGCTGGCATTCTTTCTAGGCATTTTGCTGTCTTTTCTTTTGCTTGTGAACCTCTGC  
TATGCAGCAGAAGAAAGTGTTGCTGAATTTCAACCTGGCAAAGGAGCAGCTGGTGTAAACAGCTAAGAATGGA  
GAAGAAGAGCAAGAGGAGAAATTCAAGTTTCTTCATCACCACAAACCATACTACAAGAAACCATTTCTAAAGC  
CAATTCCATACAAACATCCATTTCTCAAGAAGCCAATCCCAGTTCACCCATTCCATAAAAAAGCCAATTCCAGTTC  
ACCCTTTTCTGAAGAAGCCAATTTCAATTCAAGAAGAAGCCCATTCCAGTTCATCCATTCTCAAGAAGCCAATTC  
ACCCACCAGTCTTCCACACCCATCCTTGAAAAATCCCTTCTTCTCCACTTTCATATGCTATATAAGAATGACAAT  
GTTGTCTGTGACATAATGAAGTGAGAGTTTAATTTATTTACCAAAAAAAAAAAAAAGAAGCCGTCAGGTCTAT  
TATTTCTGTCATTTGGGTTAAGTATATTATTTGGA

>trans\_c\_5440 NM\_102297|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT1G24530) mRNA, complete cds

TATATACAGGTTTCGGCCGATCGAAAAATACGAGTTTGGGCGAAACCGGAGGCGGAGAAACGGCATGTACTG  
GTAGCAACTTTGGAGAAGCATAAATCTGCGGTGAACGCATTAGCGTTAAACGAAGACGGTTCGTTGCTGTTCT  
CCGGTGCGTGTGATCGGTGCGTGTTGGTATGGGAAAGAGAAGACAGTGCGAATTACATGGCGGTGATCGGG  
GCATTGAGAGGTCACAAAAATGCGATCTTGTGTTTGATTTACGTTTCAGGTTTGTTGTTGAGTGGGTCAGCAG  
ATCGGACAGTGAGGGTGTGGCGACGGGGAGGAGATGGGAGTTTAAATTGCTTAACAGTATTGGAAGGTCAC

AAAAAACCGGTGAAATCGCTGGTGGTTGTATCGTCGGAGGGGAGGGGATGATGTCAAACGGCGTCGTATCG  
GTGTGTAGTGGGAGTCTTGATGGAGAACTCAAAGCTTGGAAAATTTCACTTTTGAATCTTAATAGTCCATTGCC  
CAATTCGAATATTATGAATTGCAGCTAATGGATTGGAATAATAAAATAATTTCACTTTTGTCTTTTAGGAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5441 XM\_002872059|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PDE225/PTAC7, mRNA

ATGGCCACTCCAATCTCAACACTCTCCTTTGCTTCCCCTTTTTTGCCGCTCAGGATTGAGGCGAATCCCAGAATT  
TCTCCTGCCTTGAACCTCCGTCCCCCGTTTCAGGTGGTCGCTAGAAAACAGAGAAATGGTGAAGTTAGTGGTC  
GGCGAGTGTGGCGACGAAGAAAATTGACAAAGAAGGATGACATGTCGATCTACAAAATGGATCGAATCCCAT  
TCCTTGAAGAACAGGTAAGGAGGGTAAAGGAACAGGGAAAGCTCATCACAATGGACATTGAAAGACTATTAT  
TATCAGAGGACAACCGCTTTGATTTTGTGAATGAGGTTGCAGCTGAAGCTAAGGAATATGTCGAGAGCAACC  
GCGATGAATATGGGGGTTCCAAGAAAGCCATTCTTCATGTTCTCAGCAACCGTGTGAACGATGCAGGGTTTTA  
TAGGCCAGATGCTTATGCTGAAGATGACCCATTTAAACCGGGACCTCATTATCTGAAACAAGAATTTACTTGA  
ACAATTTGATTACAAAATCCATTTTCTTATACAGACTGTCAATGCATTAATCTGATTTTTCCAGTCTTTAAATGTT  
AGTGCCTTTGTCTCTTCTGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5442 Novel Gene

ATCACAACTAAACCTTTTGTCCATAATACACACACCAATAACTAAATCAAGTTAGATATCACAATGATTTCTAC  
CGTGCTTGCCAACATCGGTCAACATGATCCCATCCTCCATGTGACGTCAAAGGATACGAAGGGTGATCATCAA  
TCCGAATGGATATCGATTGCGCTATCGAAGACCTTACGTGCAAGAAGTCGCGAAATTCGCCGTGAGAGAG  
TTCGAGAAGGAAAAAATGGCAAGATCTCAATACAAACGGTTGCTAAGTTGTTGGATTAAAGAGGAGATGGGA  
GGTATAAAATATCGTCTTATCCTCGAGGTAATTAAGAAGAAAAAATTGAGGGTAAATATGAGGCTATTGTAT  
GGGAGGCTTCTGGCCGTTTGATTATAAGGAAGCTTAAGCTTATATCTTTCATGCCTTGTATGCATGGGGTTGCA  
TGACATTTCCATCCCCTCTTGTATAATTCAATCTACAAAGCTTATGGTGTGAAATGCCATTGGTAAAAATAACA  
AAAAAGGAAAAAGAAGTATATATACTTTCTATGTAAATTTCTTCTCTATGTTATTCAAAACTATGGAT  
CTTTGTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5443 NM\_001125709|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C family protein / PP2C  
family protein (AT5G06750) mRNA, complete cds

CTTCTCTATCTCTCTAGAAACGAGACAATCTTCTCTCTCTCTCAACAACATTCAGAAAATCACTGTTCAATTAC  
AATTTATCTCTTCTTTGGTGGGGTCTCTTCAGTTCGATTGTTTTGTTCAATTGATCTCTATTTGAGAAAGTG  
GGTATTGGGGCTTTGTTGCAGAGGGAAATGAGGGATGTTTTCTGCTGGCTGGCAAGGATGGCGTCGGCTTGT  
GGAAACCAGTGAGGCGGTATGCCCGTATGAACAAGGATGATGATGAAGATTGTTCTTTAGAGGACCCTTTATT  
GTGGAGCAGAGAGCTTGAAAAGCATTCTTATGGGGAGTTTTCTTTGCTGTGGTTCAGGCTAATGAGGTAATT  
GAGGATAATAGTCAGTTGAGACTGGCCCTGATGCCACTTTCGTCGGCGTCTATGATGGCCATGGTGGCCCTG  
ATGCTTCTCGCTTTATCTGTGATCATTTTTCAGGAATCTAATGAGGCTTGCTCAAGAAAATGGAAACATAACC  
GAAGGTATTCTCGAAGTGCAGTTTGTGCAACTGAGGAAGGGTTTCTTACTCTTGTTGACGGTCATGGGGAA  
TAAACCAACAATTGCAGCTATGGGTTCTTGTGTCTG

>trans\_c\_5444 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTGTAAAAGTACATTCATCACATAATAACAATTGCTCAAATAACACTCCTATACGGTATATTTGAAAC  
ATACTGGAAAGGAGAGTTAAGAGAGAAGATTTACATACAACAAAAACCCAGAAAACGAGAAAGATTCAAAA  
GCGGATTAGATCTTGCCACGTGGCCACCTGTTCCGTGGAAGTTGAGGTCCTTTCTTAATGGGAAGAACATCAT

CTGGGGCAGTAGCACTGTAATAAGCTAAAGTAGCACCACCACCTAGTAGCAAGAACTTGAGCAACAATCCTCT  
CTTGGTGAATGGAGCAGCAAAGGTCTCAAAGAATTTGCTCTGAAGAGAATTGTATGGTGAAGGAGCATCAGA  
TCCATAAAAGAACGAGAGTTGTGTAGTGTTGCCAAGTCTCCAAATCAAAGTAAACACTTGGGTCACCATAC  
TTAGCAACAACAGCACCAGCCTTGAAGTTTTTGGTCTGAAGCTCTGGCGAGATGGTCTGAGAGGGAGCTTG  
GCTCCGGCAAGGGAGCTTCCACCTCCGTGGGGAAGA

>trans\_c\_5445 U10046|Pisum sativum ribosomal protein L27 homolog (RPL27-5) mRNA, complete  
cds

ATCGTCTCAACAGAACTAAACGGTAATCAAAGCTCCAATCCAGTGTAGAAATGGTGAAATTCATCAAGCCGAA  
CAAAGCTGTTATTGTTCTCCAAGGCCGATTGGCCGGCCGAAAGCTGTAATCGTCCGAACTTTGATGAAGGA  
ACCCGCGACCGGCCCTACGGCCATTGTTTGGTAGCAGGGATGAAAAAGTACCCGAGCAAGGTCATTTCGCAAA  
GATTCAAAGAAAAAGACAGATAAAAAATCGAGAGTGAAAGCATTTCATCAAGCTTGTGAATTACCAGCACATT  
ATGCCGACGAGGTACACGCTCGACGTTGATCTCAAGGATGTGGTTAATGTGGATTGCTTACAGTCGAAAGTGT  
CGAAGGTTGCGGCGTGAAGGAGATCAAAAAGAGATTGGAGGACAGGTTTAAGACTGGGAAGAACAGGTG  
GTTTTTCACCAAACCTAGGTTCTGAGGGTATTATTTCAAGTTTTGGAGGGCCTTTTTTTTTTTCTTCTCTTGATT  
CAAATTGTGATGAACGATTTTTATTATGACGATGAATGAATGTGTTGATTTTCCTTAGCTCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5446 BT010605|Arabidopsis thaliana At5g22210 gene, complete cds

TTTATTTCCAATTCGAACAGATAAAATTGCCACCGTGCGACGTCCGTTACGTCACCTCGATACCGCCAATCCG  
GCTGCGAGCTACGACGAAGCTTCTTTGGCTAACCTACATGGGAAACAGACCCGTGAAGCAACCACAGGAAG  
AAGTTTTCTTGAAGATAGTACCTCCTTTGGACCAACATATGTTAGATGGCTAGCTCGTGATCTCGAGAGGATT  
CATGGCTTCACCCCGAGAAATCCTCGTGCCGTGAAGCCTCCCGATCACTACATAGAGTTCATGCGCTTGAATG  
GATGGTTGGACGTGAGCTTAGATGATCCAGATCTCGCACGTTTACTCAAATAGCCATGTCTTACAAACTCGAA  
AGTGTATCATTGTGGACATCTATCCTCTATCTTCTTATAATGTTAGTTCAAAGACTCTCCAAGTGTCAATTTGGAG  
GTAATCCTGTTTATGTCAACCAGTTGTCCATTAGCAATTTCTGTTAACAGGAATTGTGGAATAAAATTCTATGG  
TGTTGCCAAACCATCACCTCAATTCGATATTTGTAATGTCATTATTACTTCACATTAGTTGAAATTTACCATTTTC  
TTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5447 AF320906|Citrus unshiu metallothionein-like protein (MT45) gene, complete cds

TCCAGCTCAGCTGGCAGTTCCTGTCTTTCTTCCACTCGTGCCGCCCCAGCCTCCGTTCTAGTGATTTTACATTTAT  
TTTCATCTCCCTTTGTTTCTGTTTTAGGATTTCTTCCCTTTTTTAAAGACTGCATTCTTCAGAAATTGTGGCAT  
GGGTGGTTTACCTGTTGTAAATCTTCATCAGCCATAGCATTGCCGGAATCGAAACTTGACCAAGCGTCAACA  
GTCGTCAAGTCGACCCAGATGGAAAACCAAAAAGAAGATATGTTGTGCCTGTCCCGATACTAAGAAGCTTA  
GAGATGAGTGCATAGTGGAGCATGGTGAAGAAGCATGTGGAAAATGGATCGAGGCTCATCGTAAGTGTCTTC  
GCGCGGAGGGATTCAACGTCTGAACTTGATAACCTAATACAATGAAAGATTTGATTTTCTGCTAGTTTACAGTT  
TAGATATTTGAGAGATACAGATACCAGAGAAAATTGAGAAATAAAGTGAGAAAGAAGGTATAGCCAAAGCT  
GCAATGCAGTAAGTACAATTTGGCTTCGATTTTTGTAGGCTCGGGCCTTTGTTATTGACTTACTGTATTAATTT  
CCTCATGTTATTCAAATTTCTTACTATTTCTTCTAA

>trans\_c\_5448 NM\_100711|Arabidopsis thaliana PSAO (photosystem I subunit O) (PSAO) mRNA,  
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGACACAAACACTACTTATAAGTAAAAAACTTATAAACATGAATAAT  
AATAACAAAAACTAGAATTCTCTCCTTTTTAAGAATTATTACATATTCATTTGAAAAGTAGTCTTCGGTCTCT

TCCCTTGAATCCGATTTGTCCAAAAGTAAGCGTAATGAAGAGACCCAAATGCCACGTAATCAGCCACAACCAG  
AATTGAGAAAGTGAGGGCGGGTGGAGAAGGAAAATGGGCAAGCTCTGTTCCAATGCTCTCAAAGAACAGCCC  
CGTCAAGCTCTTCCATTGATCACCGGAATGCTCGATGGGGCAATCCACCCGATCAGTCCAAATCCAATAACAT  
TCAGATCTCTCCGTAGCCAATCCCTCTCAAAGCAGGTGAACCTTCCACGGGATGCACGCCCTACGTTAAGCGG  
ATTCTGGCGGCCACGGGCGACTTGATGAACCCGGAGACTAGACGGGGAGATCTGGAGGAAGGAGAGGAG  
AGGGAGGCGGTTCCGAGGCCGGCGACAGAGGAGGTAGCGAAGGCGGTGGCCATTTTGTGGGGATCGGGAT  
TAGTGCGGATTTAGGGGTCTGGGAGGTGCAGTTGGTTGTAGAAG

>trans\_c\_5449 AY078016|Arabidopsis thaliana At2g43780/F18O19.11 mRNA, complete cds

AAGTGTAAGTTTGCTTTTATCTCATCGTATTCTTGTTCTGATTGCGTTGATTATTCGTTATGTATTTAGTCTGTTT  
TTCACTATTTCCGAAGCGTTGGAGTAATGTTAGAAGTGCATAATCTGATACTTGTTTTTTTTATTTCTGCCCAGC  
CTGCAAAGCGCGAGGATCCGACCTCAGAGTCCATTTCAAGCGTTAAAAGCTCCAAAACAGCAGTGTCTTAGGC  
CTGCTAAAATGGCTGGACTTTTGGGATATAGTGGCCTTGACCCAAGACAAAGAATATCGTTGTTGCTGGAGG  
TTTAAGTGCATTCGTTTTCGGGGTATTTTCTACACCATGAGAGCTGTTGGAGGTTGGATGAACTGCAAGTA  
GCCATTGACAAGTTTGAAGCGCAGAAAAGCAACAAGGAATCAAATGTGTAGGCTTCGAAATGAACTTTTTTTC  
CCCTCAAGGATGTCCTTGTGACCATAACAACGAGGAAACATGTTTCATTGGCAATAATATGTTTCCATGAACTC  
TCTAAGAAGAAATACTATGTTAGGTTGATAGAGGGATATGTTTCCCTGTTTAGGAAGTCAAATATTATGTGC  
TTTGTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5450 AJ844002|Plantago major mRNA for copper chaperone (cch1 gene)

ACAGCGCAGAGATCGGCAAGCAAGGGCGAATTTTCCAATACTTTTTCCACAGTTTCTCTTCAAATTTCTTTAA  
TCTGTAACCATGTCTCAGACTACTGTCCTTAAGGTTGCTATGTCATGTCAAGGCTGTGTTGGGGCCGTCAAAG  
GGTCTTGGGAAAAGTGAAGGAGTTGACACGTTGACATCGACATTGATGCACAAAAGGTGACTGTGAAAGG  
CAATGTAGAGCGCGACGTAGTTTTCAAAGTGTTCAAAACTGGCAAGAAGACTGCCTACTGGGAAGACGA  
CGCCTCGGCAGCACCTGCAGCGACACCAGCACCGGCTGAAGCAGAAGCTAAACCTGCCGAGCCCCTGGCCGC  
TGCTTAACTATTACCATTTACTTAATGGAAATTTCCCGTTCAATGCATAAGGTCTTTATTTCTGAAGCTAAT  
AATATTGTAATAGTATGCAAACTTGTCTATTTAGTCTGTAATATTTTTATTTGAGCGTCTCTTGATGACCACC  
TACGTTAAATCTTAACCATAGTCTACAGATAATATATCTGTTTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAACCGTATATAATTAATTTACCGTAATCTTTAGC

>trans\_c\_5451 XM\_002872030|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-8 (TUB8), mRNA

GATGAGCACCAAGGAAGTTGATGAACAGATGATCAATGTTCAAACAAGAACTCTTCATACTTTGTAGAATGG  
ATCCCCAACACGTGAAATCTACAGTCTGTGACATTCCTCCAAGTGGGTTGAAAATGGCCTCGACTTTCCTTGG  
GAACTCAACATCCATCCAAGAGATGTTTCGCCGTGTTAGCGAGCAGTTTACTGCTATGTTTAGGAGGAAGGCT  
TTCTTGCAATTGGTACACAGGGGAGGGTATGGATGAGATGGAGTTCAGTGGGCTGAAAGCAATATGAATGAT  
TTGGTTTCTGAGTATCAGCAGTATCAAGACGCTACGGCTGAAGATGATGAATACTACGATGAAGATGATGTTG  
CGGATCAAGATGAATGAATGTTGTGAAGATGTGTGTTAACTTTCAAACAACGTATCTGGCAAGTTTTTGGT  
TGGATTTATGGAGGCCTAAATCAATTCATAGCTGTAGAATGTTTTAGGCCCTTATATCGTCAATTAAGATTGCA  
TTTTCTTTTTGTTCTTAATTGTGTCATCTGGATAATGCAATATGAAGAATATCAGTTACATATGCTCGTATAA  
TTTGTTATTCTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5452 AF284760|Pisum sativum HCF106 (HCF106) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATCTGTTTGCTGGGTCTCCCCAGTTCATGGTTCTTCTCAATAATCATGGCCTCCAAAATTTAGTTTCGACATT  
CCCATTTTCCCCATCACCTACTTGCTCAAGACTTTCACCTTCCACTTCCTCTTCTCTTCCATCTTATACCCAGAA  
CCCCCAAATTTATCTCTCCTTGTAATTTCCCACTGGGTCTCCGCCTTTTCTCTCCGTGGACTGGTTAAAGCA  
CTTGGGTATTTCTACCAGAGGAAGGTCTCCGTTTCCCGTGGTGTGTTTTGCAGAGAGAAGGAAGAGAATTCCTA  
AGGGGAAAGCAGTTTTTGCATCTTTGTTTGGGGTTGGAGCTCCCGAAGCACTGGTTATTGGGGTTGTGGCTTT  
GTTAGTTTTTGGTCCCAAGGGACTTGCTGAGGTTGCTCGGACTCTGGGAAAGACCTTACGTGCATTTCAACCC  
ACTATAAGAGAACTTCAGGACGTTTCTAGAGAATTCAAGACCACGCTTGAGCGAGAAATTGGTCTCGATGAAA  
TTGAGAGTTTCAGTTAACAGCTCATACAATGCAAGCAAATCTACCTACTCAAACCCACCTTTCTGTTCTAAAGCA  
AAAGAGCTTTCAGTGGCTGACCCAAGTGAGCG

>trans\_c\_5453 NM\_112819|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT3G19320)  
mRNA, complete cds

TGCTTACCCATGGAGATCGGTCTCTTAGAGAACACCGTTCTCTTCAACGCAAGCAAAAACTCACTCACCGGCC  
AATCCCATACTCCTTTGCTGCTTAACCAAATGCAGATTCTCAATTTCTCGACAACAATTATACGGCGCCGT  
GCCTGAGGACGTCTGTAAATTACCAACCTCCAAAGATTCAACCTTCGCAACAATTTCTTTACCCAAGTCGGCC  
CCATCTGCCGGAGCTTGATCTGGAAGGACGTCTAGACGTTTCTGGAACTGCATTTTGGGTCTGCCGAAACA  
GAGGCCGGAGAAGGAATGTACGTACTTCTTAGCAAACCTCATTCTTGTCTGATGACAAGTCCATGAAGATC  
ATTCCTTGTAAGGCTACGGATTACCGGCCCATCCACCACCACCGAGGAAGCTGACGGAGATGAGAACTTATG  
CCGCTCTTATTCCTAATTGATTTATGTCTATTAGTATCATTAAAGTTTGCATGAAGCTGTATTATCAATTCCTAA  
GATTAAGATTTGTGTAAGTAAATGCTCCAACCTCTTCTCATGATTGAATCGTATATATTAAGAAAGGGTT  
AGTTCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5454 XM\_002871171|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata beta-Ig-H3 domain-containing  
protein, mRNA

GTCCCTGCTACCCCTTCCCTCCTTCACCGACACCCACGCCTTTTCATCTTCCCATTATTTTCCCGGTTTCTTCTCCA  
TTGCCATTTTCATCATTCGTCTCTCTCTCCTCTCCGCCATGGATTCCCCATCCCATGGCGTCTCTCTTTTTCTCT  
TTCTACCCCTTTTCTCCTTTCCCCCTTCTCCTCCGCTTCCCTCCGTGTAACCCACTTCCTAAATCCCTTCTCTTA  
CCTCTACGGCCGCTTCTTCTCAGATCAATTCCAACCTCCATCCTCGTTGCCCTTCTTGATTCACACTATACTGAACT  
TGCAGAGCTTGTTGAGAAAGCCCTCTTGCTTCAAACCTTGAGGACGCTGTTGAAAACACAATCTCACCATTT  
TTGCACCCAGAAATGAAGCTCTGGAGCGGGAGTTGGATCCTGAGTTAAGCGATTCTTCTTGAGCCACGGAA  
TTTGAAATCGCTTCAAACGCTTTTGATGTCTCACATCGTTCTAAAAGAGTTGGGTTAATCAGGATCGTTCTTC  
TTCTCCGGTTCGACATCGGACATTGGGGGATTCCCATTTGGATTGAAGAATTCTGATTCTGGTAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5455 XM\_002890417|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata F-box family protein, mRNA

AATTCCTAAAATCTGTGCAAGTCGGTGTCTCATCGTTCATGTAAAATTCTAATCAATATATGGAATGAAGAGG  
GAATTTTACGCGATTTTCAGTTTAACTCTCGAACAAGTATTCCGATTTCTCTCTCCCTCTCTCTCTCTGCTGTT  
CCTTCATACTTTTCTAGAATTTGAACAGTTCACCTCAAATCATATTCTCCAAGGAAAGTATCCATTGCGCAC  
TCATGGCTTCGGAATATGCGTTGAAGGTCCCTGCTGAACTTGAATCAGCGTTGCGGTTGAAGACTGTTGAGTA  
TTTCATTACGAAAAGGCCGTGGCTTGATCTCTATGGTGTTAATGTTAGACCTGTCGCACCATTTGGAAGTTCAA  
GTAGGCAGCCATTTGTTGATCCAGCATTAATACATCGCAGCTTACCAGATGAGTTACTGTTGAGGTCTTTGCC  
AGAATTACTCCTTATGACCTGGGGCGGGCGTCATGTGTGTGTCGAAAATGGAGATACACCATCCGGAATCCTG  
TATTCTGGCGTAATGCTTGTTGCAAGGCTTGGCAGCTCTCTGGTGTGGTTGAAAACCTACAAGTTTTTGCAGTCT  
ATGTATGATGGATCATGGAGAAAAATGTGGTTT

>trans\_c\_5456 NM\_113395|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L13A (RPL13aB)  
(AT3G24830) mRNA, complete cds

AGCTGTTGCGATTGAAAGAGTAGCGGCCGAATCGAAAATGGTGTCTGGGTTCTGGAATATGTGCGAAGCGGG  
TCGTCGTCGATGCAAGGCACCACATGCTCGGAAGGCTTTCCTCGATCATAGCCAAGGAGCTTCTCAATGGCCA  
GAAGGTGGTCGTCGTCGGATGTGAAGAAATTTGCATCTCTGGAGTTTGGTTCGCCAGAAGATGAAGTACAT  
GAGGTTCTTGAGGAAGCGTATGAATACAAAGCCTTCTCATGGCCCCATTCACTTCCGTGCTCCCGCCAAGATCC  
TCTGGCGAACAATCCGTGGGATGATCCACACAAGACAAAGCGTGGAGCTGCTGCTCTTGCTCGTTTGAAGGC  
ATATGAAGGTGTTCTCCCCCTATGATAAGATGAAGCGGATGGTTCATCCCCGACGCTCTCAAGGTTTTGAGG  
CTTCAAGCTGGACACAAATACTGCCTGTTGGGCAGACTCTCATCGGAAGTGGGATGGAACCACTACGACACTA  
TTAAGGAGCTTGAGAGGAAGAGGAAAGAGAGGTCTCAAGCTGCATACGAGAAGAAGAAGCAGTTGACTAAG  
TTGAGGGTCAAAGCCGAGAAGGTTGCAGACGAGAAGCTCGGTCTCTC

>trans\_c\_5457 BT025613|Arabidopsis thaliana At1g78890 mRNA, complete cds

CAACCTTGAGGACGCTATTCAACGCATCCTCGTTCGCCGATCTGCTCCCGATTGGCTCCCCTTCGTTCTGAG  
CTTCCTATTGGGTTCTCTGCCTTCTAATTCCTTACCTCCCATTTGCCAGCGTTCTTCGTAACCTGGCTAACCC  
TCTCTCATGAACAATCCTTGTCTACCACTACTGTCCGTGGCTGGCCCTCTTCTCATTACTTCATTCAAGCTCAC  
CCTGCCTTGTAACCTTCATGTATAGAAGAAGACAACCGAATAACAGACTAGCAAGATGGCCGAGCAAAGTGT  
ACAAGCTTGACAGATGTGAACTGGTTGGCGAGTGTTATTTATCCAATGGCTCTTCGTCCACTGCTCTTGAAC  
GCTCTTAAATGTTTTCTTTGAGTAATTTATTTCTTTCACTTTTCGCATATGTATTGTGTTCTCTGTTGTATA  
CCAAGATACGCATAGTGATTGATCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGGCCCCCCCCG  
CCCCCAAAAACTTTATCAATCCCGCCAACCCCG

>trans\_c\_5458 AB231629|Camellia sinensis chloroplast rbcL, accD genes for ribulose-1,5-  
biphosphate carboxylase/oxygenase large subunit, acetyl CoA carboxylase beta subunit, partial cds,  
haplotype: III

CGACGGGATAATTCTCTTTTGAGAGAACGCTAAGTATCACTTCACTATATATAACGGAACCTTTTTTTTTTAAGA  
CCGACTCGTTAATACTTAATAATCCTAGTGATTGGATTAGATCCTATTCTGATAGGAAATGAGATATTTAAAT  
GATTTCTTTTTATCGAATGACTATTGAGCTATTGTATTTTCATGTAAATAGGGGCAAGAAAGCTCTATGGAAA  
AAAGATGGTTAAATTCGATGTTGTCTAAAGGGAAGTTAGAATACAGGTGTAGGCTAAATAAATCAATCAATA  
GTCTTGGTCTATTGAAAGTGAAGGATCAATTTAAATAATATGAATAAAAAACATTCTAGTCATAGTGATAGT  
TACAATTCTAGTTACAGTACTGTTGATGATTTAGTCGGCATTGGAATTCATATCTGATGACACTTTTTTAGTT  
AGGGATAGTAATAGCTGCAGTTATTCCATCTATTTGGATATTGAAATCAAATTTTTGAGATTGACAATGATCC  
TTCTTTTGTAAGTGAAGTAGAAAGTTCTTTTATACAAAACGGAACCTCTACTTATCAAAATAATGTATCTAAGAG  
TGATGATTCCCACTACGAGAGGAACCGTTGAT

>trans\_c\_5459 AY107168|Zea mays PCO087750 mRNA sequence

AATTCTGTTTTCTCTTTAATCAGCGGTCTCCTCTGTTTCCTTCCAACGCAAAGAGGGAGCAAAATCGTCGCCTT  
ATCCCCTTTCTGTATTTCTCAATCGATTTCCGCCATGGGAGGAGGCAATGGTCAGAAGGCTAAGATGGCTCG  
TGAGAGAACTTGAGAAACAAAAAGGCGCCAAGGGAAGCCAGCTTGATTCCAACAAAAAGCTATGACTAT  
TCAGTGCAAGGTGTGCATGCAACATTCATGTGTACAACCTCGGAGGTGAAATGTAGGGAGCATGCTGAAGC  
AAAACACCCCCAAATCTGATGTTTTACCTGTTTCCCCATCTTCAAAGTGACAATTCTACATTCAAACCTGAATG  
AGAGATGGGTTGTTTTCTTATTCAAGGTGTGTGTTTACAGAACATAATATATCAAATCTGTACTTTTGATCTGAT



ACACTGTGACTTGCTATACTTCTGCATGCTACAATGTGTTACAGCCTGCTTAAATCGATGTTTGCAAAACAGCT  
AAGTTTCTGTATGTCACAATTAAGTTGGTTAGGTTTTCAAGTTTTATTAATGAAGTGGTGCGATGTGAATTACT  
AGGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5460 X57693|*B.vulgaris* coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

CATAGGAGGACTCACTGGAATAGTCCTGGCAAATTCAGGGCTAGACATTGCTCTACATGATACTTATTATGTG  
GTTGCACATTTCCATTATGTACTTTCTATGGGAGCCGTTTTTGCTTTATTTGCAGGATTTTACTATTGGGTGGGT  
AAAATCTTTGGTCGGACATACCCTGAACTTTAGGTCAAAGAACCCCCCAGATCACTTTTTTCGGGGTTAATCT  
GACCTTCTTTCCCATGCAATTTCTTAGGGCTTTCGGGTATGCCACGTCGCATTCTGATTATCCAGATGCTTACGC  
TGGATGGAATGCCCTTAGCAGTTTTGGCTCTATATATAGGCGAGTTGGGATTTGTTGTTTCTTCGTGGTCGTCA  
CAATCACTTTAAGCAGTGGAATCAGAAAAGATGTGCTCCAAGTCCTTGGGCTCTTGAACAGAATTCAACCAC  
ACTGGAATGGATGGTACAAAGTCTCCGGCTTTTCATACCTTTGGGGAAGTTCCAGCTATCAAGGAGACGAAA  
AGCTATGTGAAGTAAAGAAGAAAAAGTCTGAGACTGCTACTAAGAACCTAACAGAAGTTTCTTCAAACCTAC  
TCTACTAGCTATCGACGGGCTTCTCGGTTTCTA

>trans\_c\_5461 Novel Gene

GCATTTGCGCCTTTGCTTCCGAGTTCCGGCCCCCTTCCCAGCGAAGGCGATCTCTTCTCGAATTAGGGTTTCAG  
ATTACTAAGCTTCTCTCGGGGTTCTCGTGCAAAATGGGTGGAGGGAACGGCCAAAAATCGAAGATGGCTCG  
CGAGAAGAACATGGAGAAGCTGAAAGCTTCTTCTAAGGGAAAGTCAGCTCGAAGCAAACAAGAAAGCAATGT  
CTATTCAGTGCAAGGTATGCATGCAAACCTTTATCTGCACCACGTCTGAGGTCAAATGCAGGGAACATGCTGA  
GGCAAAGCACCCGAAATCTGATGTCTATACTTGTTCACATCTTAAAAAATGAAAGAATAAGCAAGTAAGA  
ACACTGTCAAGGCACACTCCGACAGCTTCTCCTCGCCTCATTGTTTAGATGTCACACTGTAGCAGGATGCATG  
ATTTCTTGACTTGAACCGTGTTCACGCTATTTAGTGTGTTTACTTATGGTATTGCTCCCTATGTATCAGAAAA  
TTGGCTTTGGATTAATATATTAGTGGTATATTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5462 HM590708|*Medicago truncatula* NAP1 mRNA, complete cds

TATGTTCTTATGCCATTCTACGTTCAATCTATAGCCAGTACTATGCCAATTCTCCAGGGCCATTGGCGCTCCTC  
AGTCCTTCCCCACACTATTCCCCGTCGTGTCACTATCTCATGGATCCCCTGCGCCACGCCAGCCTCGTGGCGA  
TGCTACTCCTCAGCACGGAAGTAGTGATTTGAGTTACTTCAAGGGGTCAATGATGCATGGTCAGAGTTCTGTC  
TATGATCATGATAGTGGAAGCTCAAGAAGCATTGAACTAAACACCGGAATGCCCGTCGTTTCAGGTCCTTTGG  
ATTACAGTTCCAGTCGGAAGCGAAACATGTTGAAGGTTCAACTCAGGCAGCTCAGGTCCTAGTCCCCTTCC  
AAGGTTTGCTGTCTCAAGGTCTGGACCGCTAGCGTACAAGTAAATGTAAACTGCCTTTGCCAAATTATACATA  
AGTTATCCTTTCCATTGTTCACTTTCTTTGGCATTGTAGTCTATGAATTTTGTCAAAGATACTTCCGAAATT  
GCTTCAGGCTCTATGATAGATTAAATATCAATCAAATGAAGTAGTTCCTTCGATCTTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5463 XM\_002869836|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* oxidoreductase, mRNA

AGTCTATGAACAGAGCAGACAAACAATGAAGGCTGTTGTGATTAGCGAACCTGGCGAGGCAGAAAGTTCTTCA  
ATTGCAGGAGGTTGATGACCAATAATCAAGGACGATGAAGTTCTGATCAAGGTTGAAGCCACTGCCCTGAA  
CCGAGCCGACACCATAACAGAGGAAAGGCTTCTACCCCCGCCAAGGGCTCTAGTCCCTACCTCGGCCTCGAA  
TGCTCTGGGATCATCCAAGCTGTTGGCAAAAACGTTTCCCGCTGGAAAATTGGCGATCAGGTATGTGCTCTTC  
TTTCTGGAGGCGGATATGCTGAGAAAGTGGCTGTCCAGCTGGGCAAGTACTTCCATTCCGCCTGGTGTTC  
CTTGAAGGATGCTGCTAGTCTCCGGAGGTGGCCTGCACCGTTTGGTCCACTGTGTTTATGACAAGTCGATTAT

TGAGAGGAGAGACATTGTTGGTTCATGGAGGTTCAAGTGGAATTGGTACTTTTGCCATTAGATATCTAAATA  
CCAAGGAGCAAAAGTATTGTTACTGCAGGTAGTGAAGAGAAATTAGCTGTCTGCAAAGACCTGGAGCAGA  
TGTGTGCATCAATTATAAACTGAAGATTTTGTGCACGAGT

>trans\_c\_5464 AY973615|Manihot esculenta aldo/keto reductase AKR mRNA, complete cds

ACCGGACAACACAGAAAAGGAAAATTTTCATTAAGTTTTTTTCGTTTCCAAAAATTTTGCCGGAAAAAAGGCAT  
AAAGGTAACCCCATCGACGCAGCCACCAGCTACCAACCACCACTAAATCCGTAGATAAATTAACCCATTTCCC  
ATCTCCTTCTTCCACTCCGACCATTTTCCTTTCTCCGGCGACCTCATAATGGCTTCTCAAGTTCCTAGAATCAAG  
CTCGGTTCTCAAGGCCTCGAAGTGTCCGCACAAGGTCTCGGCTGCATGGGCATGTCCGCCTTCTACGGCCCTC  
CCAAGCCCGACTCCGACATGATCGCTTTGATTACCCACGCCAACGACAGCGGCATCACTCTTCTCGACACCTCC  
GACATCTACGGCCCGTTCACCAACAAAATCCTCGTCGGTAAGGCTCTCAAGGACGGCTACAGAGACAAGGAC  
GAACTTGCCACTAAATTTGCAATTAGTTTCGCCGATGGTAAGAGGGAGATTCTGGAGACCCTGCCTATGTTA  
GAGCCGCTTGCGAGGCTAGTTTGAAGCGTCTCGATGTTGACTGCATCGATCTCTATTACCAGCATCGGATTGA  
CACCCAGGGTTCGAATGAAGTCACGATTGGGGGAG

>trans\_c\_5465 AF403292|Vicia faba RNA-binding protein AKIP1 mRNA, complete cds

ATGACTGCTTGCCAGTTAGCTTCGGTTGGGCCTGTTCCAACGGCCAATGCGGTGGCAGCTCCTCAAGCACCAC  
CTGCTTCAGAATATACGCAGAGAAAGATTTATGTGAGCAATGTTGGAGCTGATGTAGACCCCCAAAAGTTGCT  
TGCTTTCTTTTCCAGTTCGGTGAAGTTGATGAAGGACCTTTGGGACTTGACAAGATGACGGGTAAGCCTAAA  
GGGTCTGTCTATTTGTGTACAAGTCGATAGAAAGTGCTAAGAAGGCTTTGGAGGAGCCTCACAGAAGCTTTG  
AGGGTCATGTCTTGCAATTGTCAGAAGGCCATCGACGGTCCCAAGCCAGGGAAGGCTCAGCACCAGCATCATA  
CACCAAATGCTCCGTTCCAGAGGAATAAGAATCCTAATTATGCAGGTGGGGCGGCTTCTGGATCGGGGCACTT  
GATGGCACCTGCAGGGCCTGGTGTGGTTACAACCAAGGACCTCCTCAAGGATTGAACCCAGCTATTGGTCAG  
GCGCTGACTGCTTTGCTGGCAGGTCAGGGTGCTGGGTTGGGACTCACTAATTTGTTAGGGACACTTGGAAGT  
GCAGGGCTGAATCCAGCTGTTCAAGGGGCGGGACCTGGTGT

>trans\_c\_5466 L43068|Spinacia oleracea chloroplast ribose-5-phosphate isomerase mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

ATTGAGAATTGGATAAGCAAAGTGAAGAGAAAAAGGAAGAACAAGAACAATTCAAAGAAGAACACAAAA  
GCAAAAAAGAAAAACCTCAAAACCCTATCCTTTTCTCATCAATGGCGTCCCTCTCCTTCATTTCTCCTCCTTCTC  
TCTCCTCCTCTCGCCATGTTTCCTCCATAGCCAACCTTCTCCTCCGCTCCTCAAAACCCCTAAATCTCTCCACCCA  
TTGCCGCCCTCTCTCCGTCCACGCCCGCGTCTCCACTCTCACTCAAGACGACCTCAAGAACTCGCCGCCGACA  
AAGCCGTCGAGTATGTCAAAGCGGCATGGTCCTCGGCCTCGGCACCGGCTCCACTGCCGCCTTCGTGTCGCGC  
TAAGATCGGTGAATTTCTCAAGACTAATCAATTAACCGACATTGTAGGAATCCCTACCTCGAAACGAACGGAA  
GAACAAGCTAGGTCATTAGGAATTCCTCTCTGTATTAGACGACCATCCGCATCTCGATTTAGCTATCGATGG  
TGCTGATGAAGTCGATCCAGATCTGAATCTCGTCAAAGGCCGGGGCGGCGCTTTATTGCGTGAGAAGATGGG  
GGAGGCGGCGTCCGATAAGTTCGGCGTCGTCGTT

>trans\_c\_5467 HM122635|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR10)  
mRNA, complete cds

CGGCGGCGGCTCAGGTGTCAAGCTCTTTGGGGTTAGGCTCACCGACGGCTCTTTCATCAAGAAAAGCGCCAG  
CATGGGTAACCTCTCTGTACATTACCATAGTTCTTCTTCCGCCGCCGCTCTCCGAATCCCGACTCTCCTAACTC  
CGATCCCGTTCATGATTCCGATGGCTTTTATCCGATGATCCTGCCATGCATCCTGCTCCGCTAATCGCCGGG  
CTGAAAGGAAGAAAGGTGTTCCATGGACAGAGGAGGAGCATCGATTGTTCTTAGTTGGTCTTCAGAACTGG

>trans\_c\_5468 BT030339|Arabidopsis thaliana At2g16940 mRNA, complete cds

>trans\_c\_5469 CT028701|Poplar cDNA sequences

>trans\_c\_5470 HM202825|Picea sitchensis isolate CR301 leucine rich repeat-like protein mRNA, partial cds

>trans c 5471 AY660751|Populus tomentosa Gip1-like protein mRNA, complete cds

CCTCATTTCAACCTCCTTCTTATTCATTTTTACCCTTCCAATGGCCATGCCCAAGTCGCTGCTCTCTTGCTCTTG  
GCCCTCATTGCCATTTCCATGCTTCAGACTGCTGTCATGGCCGGCAGTGGTGGTCGAAACAGGAACCCATATG  
GACCGGGAAGTGTCAAAGTCTTCCAATGCCCAAATCGATGTGCCAAACGGTGTGGAAGAACAATAACCACA

AGCCATGCATGTTCTTCTGCCAAAAGTGCTGCAGGAAGTGCTTGTGTGTGCCGCCTGGCTACTATGGAAACAA  
AGCCGTTTGCCTTGTCTACAACAACTGGAAGACAAAGGAAGGAGGACCCAAATGCCCTTAAACAATAACCTA  
CAATTCTTTTCACTTTTTGTTTTACTTTTTCTTTGCATTTTGCTGCTAACCCCATCTCTTTTACTATGAACCTGTAC  
GGGGGACGGGGTTGGGAAGAAATCTGTGACTCATTAGATGGGAAGAAATTTGTTTCCTTTAAGTCATAGTGT  
ATTTTGGGTACTTTATTATAAGTTTATAATATTAATATATGAGTAATGAAATGAAACATCTTGTTTCTACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5472 Novel Gene

GACCAAAGGCTGACGGAAACGTTCAACAAGTATGGGGAAGTAGTTGAAGCGAGAGTGATTACGGATCGTGA  
CTCTGGTAGATCAAGAGGTTTTGGGTTTGTCACTTTCGGTGCCAGTGAAGACGCTTCTAGTGCTATTCAAGCTT  
TGGATGGACAGGATCTCGACGGTCGTCGCATTAGATGCAGCTATGCTACTGAAAGATCTAGTGGTGGAGGTG  
GTTATGGAGGTGGTGGTGGCTATGGCGGTGGTGGCTACAGTGGAGGTGGTGGTGGTTATGGCGGTGGCGGC  
TATGGCGGCGGTGGCTATGGCGGCGGTAGCAATGGCTTTGGTGACAAGGCTTGAAGGAACTTATCTAATATT  
TCAACAAATGGGCTTTTTAAGTGAATGTCTATGCTTCGTTGTACCGCCGATTATATATTTTGTCTATGTTCTT  
CAATTTTGAAGATAATTCGTTACGATTCAGAATTGTTAGTGCCGTTGCGTAGGATTTGAGAATTAAATGGACTA  
CCCCTTCCTAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAATAAGAGAAAACAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAATAA  
AAATTGAAACCAAAATAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5473 NM\_001068851|Oryza sativa Japonica Group Os08g0528900 (Os08g0528900)  
mRNA, complete cds

TTCTGGAGGCAAAGCCGGATCTTCTGGCGGATTGGTTTCCATGGACAAGAAGTTAGATGGAAGATCAAGAAT  
CGATCGAGAAGCTGATAATCAGCTTCTTCAGGAAGAAAAGGATGTGGTGTGTCGTTGCTAATGTGCTGTCT  
GATCTTTGTGGCCCGGAGAATGGATGCCTATGGAGAACTCCACCCTGAGCTGGTTGAGCATTATGGCAAT  
GTTTGGCACCATAGTCGTGTAAGAAAGTACCTAACATCAGAGGATTGGCACGGTCCAGAAGCCAAGGATAAA  
CCGTGGTATGGCCTGCTTATGTTGTTGAGAAAATACCCTGAACACTTTGTGATTAAACACGAGATCCAAGGGCC  
GAGTAACGCTCGAATTCGTCTCACTGGTCTCACTGCTTTCCTAGAGCCAGAACTAGAATAGGGGTGGCGTTT  
TGACATAACCACATATGTAATGAGATGACATTCTGGCGCTTCACTTGCCATTCTTACCTTTGTCCGACTTGAAG  
TGATTTTAGGAACTCGATGTATGTAAATCATAATTCCGTACTATCAATCTGAAATAGTTTTTCATCTGAATTAA  
CTTTTGTAAAAA

>trans\_c\_5474 XM\_002884047|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATSLY1, mRNA

AAAAGGGTGGGATGAAATCATATGAATTAGATAGTTCAGACCCATTTTGGGTGGCAAATGGATCTTTGGAGTT  
TCCAGAAGTTGCAGTGGAGATTGAGACTCAGTTGAATAAGTATAAAAAGGATGTTGATGAGGTGAATAGAAG  
AACTGGTGGTACTGATGGAGCTGAGTTTATGGAACAGATTTGATTGGGAACACAAAGCATTGATGAATGC  
AGTGAACCTATTGCCAGAATTGACTGAAAGGAAGCAAGTTATTGATAAGCATACAAACATTGCTACAGTATTA  
TTAGGTGCGATCAAGGACAGGTCACTTGATTCATATGCTAAAAAGGAGAATGACATGATGGTCAGAGGAGGG  
ATCGATAGAAATGAACTCTTGAGTGTACTCAAAGGGAAGGGTACTAAAACGGATAAGCTCCGATTTGCTGTTA  
TATATCTCATCTCTTCTGAACTTTAAATCCATCTGAAGTTGAAGCTGTGGAAGCTGCTCTGAGGGAATCAGAG  
GTTGATAACAGTGCATTTCAATATGTCAAGAAAATCAAGTCTTTGAATGCCTCATTCTCATCAGCAAATTCAGC  
TAGCAGAAGCAACCTTGTGGATTGGGCTGAAAACTATA

>trans\_c\_5475 FJ899668|Jatropha curcas cytochrome b-c1 complex subunit 8 mRNA, complete cds

AACGGTGAGTGTTAGTATTGAAATACGCAGTTCTCGTGAATGAGCCTGGCTTAGATTTGGGAACAAGAGCCA  
ACCCCTTTCGACCGAGAAGCCGTCGTCTTCACCATATTCGCCTCAACCATTTCGATAGCCACGTTTGAAGAAGAA

TTAGGATTGCCATGGGGAAGCAACCGGTTCCGATGAAGGCTGTGATCTATGCTTTATCGCCGTTCCAACAGAA  
GATCATGTCAGGGTTATGGAATGACTTGTCCGGCAAGATTCACCATAAGATCTCCGAGAACTGGATCAGTGCC  
GCCCTTCTAATTACCCCTGTCGTCGGCTCCTACACGTACGTACAGCAGTACAAGGAGAAGGAAAAGTTGTCTC  
ACAGGTACTGAGCGCCTGGTCCCTTGATATGATATGTCATCCCTCTACCTTGAAGAACTTTTGATCTTTATCAAT  
TTTTTGTATATGCAAATGGAGCTATGGTTTCTTAGACTATGAGGACGTGCTTTTATTTTGAGGAACATTTTCTC  
TCTTGTTCGTTGGAATAAATTACAACATTTTCTGTTGTCAATGTGAACCGTTATATAAAAATCAGTGTTAAATT  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5476 NM\_001070212 | *Oryza sativa* Japonica Group Os09g0517000 (Os09g0517000)  
mRNA, complete cds

ACAAAAGAAGAGAAGAAAAATAGTCTCTTCTATTCTAATATCGTAAACTCCCACATGGTAATGTGAGATTGAG  
AAACAATGGCACATTCATCTATCTATATCGGCCACAGCCAATGTCACAGCCACCATTTACGCTCTATCCGTT  
TCAGCAACACACAATGTTCTATCATAGGCTTCCAAATCCACAAGCTCGCAGCAACGCTCGCAATCAATCCGAA  
CCTAGCAATCTCATCTCACGCAGAAACACTGCCTTGATCTTGACAGGGGTAATGCTGGGAGTGAATGTGGTTG  
ACCGGAGTGCGGAGGCAGCGGCAAGAAGGCCGCCACCTCCACCGAAAGAGAAGAAGGACCCCAATCTG  
AGTGGGGTTTCAGGCAAAAGTGCTAGCTAGTAAAAAGAGAAAGGAAGCCCTTAAAGAAGCTACAGCTAAGCT  
AAGAGCGAAAGGGAAACCTGTTGACCAGCCACCACCTGAATAATTTATGTGAATCCCAAATTTTGTATGTTTT  
CGCATTTCTCCCGTCGGATATATGTTAATCCACCTGAATAAAGAGTGCATATTTATATTAACAACTCTAATCTTC  
GTTTGTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5477 XM\_002885012 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* NHL repeat-containing protein,  
mRNA

CTCTTGTCAAATGGACCAGGTCTTCTTATAAATCCCTCCCAGCACCCCCATTAGGTAATGGGGATGTCCTTCAG  
TTTGAGAATGGGTACTTGGTTGAAACTGTAGTGGAGGGAAATGAAATTGGAGTTCTTCCACATAAGATCCATG  
TCTCGAAGGACGGTGAACTTTTTGTGTTGATTTCGGTTAATAGCAATATTGTGAAGATCTCTCCCCCTTTATCTA  
AATATACTAGAGCAAGATTGGTTGCTGGTTCATTTCAAAGCCACACAGGACATATTGATGGAAAACCTAATGA  
TGCTCGCTTTAACCATCCAAGAGGTGTAACCGTGGATGATAAAGGAAATGTGTATGTAGCTGATACCTTGAAT  
TTGGCCATCAGAAAGATTGGAGATGCTGGCGTGACAACCATTGCAGGGGGAAAATCAAACGTTGTAGGCTAC  
AGGGATGGACCTGGTGAAGATGCAAAATTCTCAAACGATTTTGTATGTAATGTATGTCCGTTCTACTTGTCTTT  
GTTGGTTATTGACCGTGGAAATGCTGCAATCTTCAAATTTCTCTAAATCTGGAGGATTGTGAATATCAAGACT  
GTTTCGATTTCCGACAGTGATGCTCTTATGATCA

>trans\_c\_5478 DQ280492 | *Malus x domestica* cytosolic NADP-malic enzyme mRNA, complete cds

CGGAAGCTTTGGCGTCACAAGTGTCCTCAAGAAGATTCGACAAAGGACTCATCTATCCTCCATTTACCAACATC  
AGAAAGATTTACGACATATTGCTGCCAGTGTGGCTGCAAAAGCTTATGAACTTGGTGATCCTTCAACTCTATT  
TCCCTTCCCTATTCCCAAACCTTTTAAACAGTTCCAATTTGCTAATCATCCTCCCATTTCAAATTCTGTCTTGTA  
GGTTTGGCCACTCGCTCCCTCAACCTAAAGATCTGGTGAAATATGCTGAGAGCTGTATGTACAGTCCTAGCTA  
TCAAAATTACCGGTAGATTAGTGTGTTACTCTGCTGTAGCTACATCGCATTGTTGTTTATTTCCAATAATGT  
TTTTTCTATTGTATTATTTCTTTATGTTATGTAAGTTATTTGGTGATTTAGAAATGAGCTATAGTTGCAGTAGG  
TGTGAAAAAATGAGAAAAAGAAAAAAGTAGAAAAAGAACTCATACAAGTTTTTCATGAAATTGAAT  
GGAACTTGTGCTCAAAATCTGAAGGATTCATGACTTGTTGTTGAAGTATATTCACAGGTTTCTTGGCTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5479 NM\_117152|Arabidopsis thaliana kinesin light chain-related (AT4G10840) mRNA, complete cds

AGTGTGGCAACTGTCATCAAGATACCATTGGAGTATATAGCAACCTCGCCGAACCTATGATGCTATGGGAAG  
AGTCGATGATGCTATCGAAATATTGGAATCTGTTCTTAAGTTGAGAGAAGAGAAGCTTGGAATTGCGAATCCA  
GATTTTGAGGACGAAAAGAGGAGACTGGCTGAACTGCTGAAGGAAGCAGGCCGAACCCAAAACCGGAAAGC  
AAAGTCTCTGGAAAATCTCATTGATCCGAACTCTAGGAAAACAAAGAAAGAGACGACGAACAAGTGGTCGGG  
CTTGGGATTTAGAAATTTGAATGGAAAAATCTCCTTGAATATTGAATCTGCTTTACTGATCCAACATTGCACATTC  
TGTAACATATAAGATCATGTATAGAGTTGATTTAATTTTTTTCTTTTCCAATTGGAGCAAGCCCATCTTCTTTTTTC  
TTTATGAACTGAACTCATTTATTGTTCTTCTCTTTGTGCTGTTAATTGTTAATTGAATGTCTGTGCCTGTAA  
GGCTGTTAATGGAGAAAGAAAACATTTGATCTTTGATTGAATAAGATTATGAAAGAATGTTTTCTGCGTAAAG  
ATAAAAATAGATAAAGCAAACAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5480 Novel Gene

ATCGGAATATCAGGCGGTCATCTTTAACCGACCTCTCTTTCTGCCAATACAGAGTGTGTTCTTCCGCCATGGC  
TTCCACTTCTAGGGATCCAGCTCCGCCCTACGCCAGTGCTGCTAGAATTTCCGATTCTCCTTGCTATCCTCAGTA  
CAGCGCTTCCCTCAAATGTCTTGAGGTAAATAGCTCAGAGAAGAGCAAATGTCAAGAACATTTTCGATGTTTAC  
AAGGAATGCAAGAAGAAAGAGCGGGAAGCTCGGTTGGAACGCAACAAGACACGGTCTTTCTTCTCATGAAAT  
TATCTTCAGGCATTTTTCTTGATGTTAAAGTATGTATGCTTTTCATGCAATCTACTAACCTCCCACCACTTTCTAT  
TCTATTCAATGATGATTATCGATTGCATGTTCAATTTGGTGAATAATTCTATGAAATGTCTACCCACACTTTTAGG  
TCTTTTTTTCTTAACTTCAGAATGTTTAGGATTATGTTGCGTAGGCTATTTTACCTCATGTACTAAAAGAGGAA  
AATTGTTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5481 NM\_001035673|Arabidopsis thaliana KINESIN-12B; microtubule motor/ plus-end-  
directed microtubule motor (KINESIN-12B) mRNA, complete cds

ATTTCTAATTTCTTCATCTTTCTTCTCAACGGCAACTATCTCCCCCTCTTACCCCCCTCTCCGCCTCCCCTTCTCTC  
TCGATCTCTTGCTCTCTTCGTCTTCTCAGAACTTCACTCTTCTTTCTCTCAATTTCTATTCTCTAAAATGAAGC  
ATCCACCCAAGAAACCCTATCTTGCTAAATACCCATCTCGCCGATCCACTGCCATTTTCTATTCCATGCGCTAAC  
GGCGCCGGAATCAAGGGCGGAAGACCCCTAGGAAACCTATGTCGTCTTCCAAAGAAAATGCTTCACCGTCAG  
ATCCCAAATTCCAAACCTCCATGGTTCCCGATTCCAAACCTCGCCGACTAAGTTGAAGAGCCTGCTCCATCTTCT  
AACCCACTTAAGCGGAAGCTCAGTATGGAGACCGTTCGGGAGAATTCCATCCCTGGGTTGTCTGATTCTGTTG  
TTAAGATTAGAGAAGATGTAAATCTGGTGTAGAAAATTTAACAGAGGAGTGTGTATCCACAATGGCAGCCG  
TACTCGGCTTCTAATGAAGGTTTTATCTTCTCGTGCTAATATGCGCACCTGAGTGACCCCTATNCCTGCAA  
CCGTGTACTAAAAAAGTTGCAG

>trans\_c\_5482 NM\_001057947|Oryza sativa Japonica Group Os03g0772800 (Os03g0772800)  
mRNA, complete cds

TAAGGGTCTGGTCATTTTCGTGGACTCGGCAATTTGTGAGAGAGAATCAAAGAGAAAATGGCAATGGCGTCGA  
TCCGATCCAATTTTCTTCGCGCCGCCCTACGCGGTGCCTCTCGAACTCCGTTCCAGCCTAACGCGGCTTTGCTT  
CCTCTGCTCACGACGACGCTCGTGAAACGGCAAAAGTGGGAGAAGATTACTTATGCTGGCATTGTAACCTGCTC  
TATTTTAGCATTCTATAATTTATCAAAGGGGCACCCCCACCATGAAGAGCCCCCTGCATATCCATATTTGCACAT  
TCGCAATAAAGAGTTCCCTTGGGTCTGATGGTCTTTGAGGTGAAGCACCCTAAGGATTACTTTGGGT  
TCAAAGCGCATCAGAGTTCTCATTCTGTTCCATATCAGAAAAGACTTCATGGACTGGTTGGTTTAGATTTTTTC

TCTGCAAAGGAAAAGCCATGGCATGGCCATTTTGCATTTGTTAAAATGCTATCAGAATATTATGTGAATCATG  
GTTTGAAGTTCTTTTTTTTGTACAGCCTTCCTCCTGATTAATAAGATAAAATTTCTTCCCATTGTGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5483 XM\_002884159|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EDA27/NOP10, mRNA

GAACAGCCGCCCTTGGTCCCTAACTCCCCTTCGCGCTCCCCGCGATCGTCCCTGTACACCCTCGCCCTTCGTCTT  
GCACGACGTCGCACCTCTGTTTCATCTCGTTGAGTGTCTATCAACGATGTATCTTCAGTTTTACATAAACGACAAT  
GGTGATAAAGTCTACACCACAAAGAAGGAATCTCCTCTAGGTTTGGCTACACAATCTGCTCATCCAGCTCGTTT  
CTCCCCGATGACAAATATTCGAGGCAAAGAGTTCTACTTAAGAAGCGATTGGCTTGCTTCTACACAGCAG  
CCACCTCCAAAGTACTGAACTCAACGCACTCTCAAATTACAATTCTATGGCAGTTCTCAAGTGTGTTTGTTC  
AAACCCCATCAATAGTTAGATCGTGACTTTGTTAACTTTGATAGATAGTTTGCCTTTTCTTCTGTGGCTTGT  
AATTGAGCTGTAAAGCACAATTCAGTGTGAACCTTTCTTAAGCTTGCAATGGCTTTATGTTGTATTGAACT  
TTATTTTACTGAAAGCAAATCTATCTACTTTGAAGATCTGGTTTTAATGCAAGATAATGGGCCTTTTTCATAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5484 NM\_119751|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein  
(AT4G35850) mRNA, complete cds

GAGAGTGAGCTTCATTTCTCGTCGCTCCGTCTATCGATTTCAAGTGTCAATGAAGCTCCTTCAATCTGTGCGCCGG  
TCAAAGCCGCTCGCTTGTCCGTTTTCTTGACAGCGTCGATCTTTTGTGTTTCTACGGAAGAGTACAGAAAAC  
GGAATTACGCTGATAATGTTTCCGAGTACAAAACCGTTATTGCCTCCCTCACTTCCAGAGAAGGTACTTCTCA  
TTGAGGGATGTGTATGACGATATGATGTTGGATGGAGTGCAGCCTACAATGGACGTTTTCCAATTACTGATAA  
CTGGAACCATGAAAGGCGCTCGTTTCCAACATGCTTTTTCTTCAGGGATGAAATGAAGGCCATGGGTTTGAT  
TCCTGATGTTAGTCTGTATAACATGCTGATCTCATTATGTGGTAAATGTAACAACCTCTGAAGAGGCTGTCCGGA  
TCTTAGATGAGATGAGGAGATATGAAGTGAAGCCAAATTCACAGACGTACATCTGTCTACTTAATGCTTGTGC  
AGCTGCTGGTAGATTAGATCGCGTGTATACGATTGTCAGAGATATGACTTCTGCTGGCCTTGCTTAAACAAG  
TTCTGCTATGCTGGACTTATAGCTGCACATA

>trans\_c\_5485 AY042829|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T3M22.5) mRNA, complete cds

ATCTAGAACCTGGTCAGAGTTCAGTTGTTGAAGCAAAAAATGGTTCTCAAGTACTCATTAAAGCCACTGCCGG  
ACCAGTACTAGGTCCTCCTTGGCAGCGTCCTGAGAACGGGTATCTTGTGTTTCTCCCCAAGGCCAGCTGACTC  
TTTATTATGAACCTCATTGCTCTTACGACAAGGAATTTTGGGGAAAGAAAGGGCTGATATTGTCATCACACCT  
GTGATAAAGCAGCTTCTCCCTATTTACTCTCGTTTCTGGACAAGAAGATGCAGTTCAGCTTGCAAAGCTACT  
GCATGCAAAATTCATCGTGCCAATGAATAATGGAGATATGGATAGCAAAGGGCTTCTTGCAAGCTTAATCAGT  
GCGGAAGGGACAATTGGATCTTTCAAGGAATTATTGTCAAGGGAGCTTCCAGAGGCAGTTGTCTTGGAGCCT  
ACACCTGGGGTACCACTTAACATTTCTCCATCTTCAGATCAAGCGTGAGTACCTGGTTTTTCAATAATGAAAAC  
TCACCTTTTGAATGTATACAATTTATTCATGATGATGGAATCTAGTGAAGCCTGGTTTTTTCCAGCATTAAATCG  
GTTTCATAGTAAAGGAAAGATTTCTACTTC

>trans\_c\_5486 NM\_129258|Arabidopsis thaliana DNA binding / sequence-specific DNA binding  
(AT2G37020) mRNA, complete cds

CCTCAATTCATTGCTGTTTCTCGTCTTCCACTGCGGATCAGCCGTCACCGTTCGACCCGTACTTCTTCATTCTGT  
TCCTCTTCCACCATGGCTGGCACTAACGCCGACACCGACGCCCTTGCCTCATCTTCTCGGTGGAGAAGCAATT  
CGAGCATTTCAAGAGCTCAACTCAAGATTCTGGAAGCTTACGTGACCGCATTGGAAGTGTGGCTATGGAGATC  
GAGTCTCCACGAGGTTGATACAGGCCAGCTTGCTTCTGGTTCATCAGTCTCGTCTCACTCCTGAGGTTCTTGA

GAAGCCAAAAGCGCAGGTTGGTTTATTGAAGTCGTTCTACAAGCAACTTGCTGAAATTCTTCGCGAGAGCCCT  
GGTCTTTACTATAGGTATCACGGAGACTGGAGGAGTGAGACACAGACAGCTGTTTCGTTGCTTGCTTTTATTC  
ATTGGCTAGAAACGGGAGAACTTCTTCTGCACCCCGAAGCCGAGGAAAAAATTGGGCTAAATGAATCTGACTT  
CAATTTGGATGTTGAAGACTATCTTATTGGAATATGTTTCATGTCCAATGAATTGCCACGATATGTTGTCAACC  
AAGTGACAGTTGGAGACTATGATTGTCCA

>trans\_c\_5487 AY627865|Nicotiana tabacum ethylene-responsive element binding protein 5  
mRNA, complete cds

ATCCCCAAATCAGTGTAATCAAAACAACATACACATCTCCTTCAACCACTCCTTTTTTCATCTAACCACCGCCAT  
GGTTGCCAAGGAAAAATCTCCCCCAACAACCTTCTTCTCTTCCAACAACAATGGTAAAGATCTTCATTTCCG  
TGGCGTTTCGTAAAGAGGCCTTGGGGCCGATACGCCGCCGAGATCCGTGATCCCGGCAAGAAAAGCCGCGTTTG  
GCTCGGTACCTTCGACACCGCCGAGGAGGCGGCACGTGCTTACGACACTGCCGCCCGTCAGTTTCGTGGCGCT  
AAGGCTAAAACCAACTTCCCTCCTCCTGACGAGTTGATCGACGTTTCTCCTCACAAGATCAACCAAAGTCCTAG  
TCCTAGCAGCACCGTCGACTCCTTCTCCTCCAGACATGAAAAAACCCCTCCCGGAGATCTCCCGAAGCT  
ACGGCGTTGGAAGAACTTTTCATTCAACCTCAGTTTTTGCATGAGGGCGGCGGCAGCGTTTCGTCCAGT  
TTTGTTCTAGACGTTTTTGAGAAACCAGAATTCGAAGCTCATGGTTATCCTAAACAGATCAAACCGGCAACTG  
TGGATTTGACGTCAAGGTTCAACGGTGG

>trans\_c\_5488 U95008|Lycopersicon esculentum Rb7 (RB7) gene, partial cds

CCCATACTCTGACAAACAAGTCGAGAAACCGAGCCCCAAAAATGGGTAGTCGTTCTTCGTTTAGTGGAATAAC  
AATGGTGGTGGTGATGATGTTGATAACCATCTTCTGTTCCAGCCACAGCTGCAGAGGTTTCGGTTCTGATCAAG  
GCCAACGCCACGTACGACGTCGTGATGACCGAAGAGTTGCTGATCTACCCTGATATCAATCGGTATCTCATGT  
TCAAAGGTGTCGATGCAAAGACAGGTAAGACCAATGACAAAAACGTCGTAGCTTGCGGTAATGGCGCTGGAA  
ATAGCTTTGCTGGATGTAGTGGAAGCACCAGCAATAAAAAGAAATGCAATGCATACAAAGGCCCCAAAGCTT  
GCTAATAATAATCCCTTCAATAATTATTTATGATTTTGGTGTGCTGGTCTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG  
TATATAATATGAACGAAATGAAATGACTCATCTTCTTTCTTCTTCTTCAATCTCTCAATCATATCCCCACATAT  
CTATGAAGTACGAACCTTTTGATGCAAGATTGTTTTGAAATTTTAATATACATTCAAGATTGTTACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5489 Novel Gene

AAAACATTCTCTCTCTCATTTCACAATCACTACAGCCCTCATCCCCTCTTCCATGGCAAAGCCGGTCCTCTCT  
AATCTTAGCTCCTGGATCGAGGTCGCTCCTCCCCCTCTATTTCTCCTTCAAATCCTCCAATTCTCCTCCTTGG  
ATACTATTCTGAACACGATTCCGAAGATACTTCTGATTAGCTATTTTAATTTTCTCCTCTCTCTTCATTTAGAT  
CTCTCATTATATATATTTCTCCAATTCTCCTTCGGATCTGTGAGAATATATATTGAATGGAATATGGAGTCTCC  
ATTATAATTGTTTACGGCTTTCAATTTTAATTTTCCATTTTTCTTCTTACTTGAATTTACATTGTGTATATATATG  
TTCATATTGCGTCGCAGTTGATTTGTATTACCAATTTACGCGATGATGGAATATTCCTTCTTATTATACAAAGT  
TCAAACCTTCTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCCCCCCCGCCCCGAAAAAC  
TTATCAATACCCCCAACCCCA

>trans\_c\_5490 Novel Gene

CGAGATGTCACCCTATAGCTTTTTGACATCCCGACTTACCAACCCGATGCAAACCTACGAATACCGAAGAATGTT  
ATCACGGGAGACACACGGCGGGTGCTAACGTCCGTCGTGAAGAGGGAAACAACCCAGACCGCCAGCTAAGG  
TCCCAAAGTCACAGTTAAGTGGGAAACGATGTGGGAAGGCACAGACAGCCAGGATGTTGGCTTAGAAGCAG



CCATCCTTTGAAGAAAGCGTAATAGCTCACTGGTCTAGCTCCATGGCACCGAAAATGTCTCGGGGCTCAAGTG  
ATTCACCGAAGCGACGAGACCTTGAAAGCAGCTTTTTCAAGTGTCAAGTAGCGGGACGTTCTGTCAATCGGGG  
AAGGTTTTTGGTGACAAGACCTGGAGATATCAGAAAGTGAGAATGCTGACATGAGTAACGAGAAATCCTGTGA  
AAAACACGATCGCCTGCCAGTGGAAGGCTTTCTGCGTTCAGTCAATCTACGCAGAGTGAATCGGTCCCTAAGG  
AACCCCGAAAGGGCTGCCGTCCGATGGGTACACGAAAGTGACGAAGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5491 AB218785|Prunus mume Pm52 mRNA, complete cds

GGAAACGAATCCGGAGGTTGAAGACGATGGCGAAATTCATGTAGTTCAGAAGCAAAGACGGGCTGTTAGA  
GCTCAGATAAAGAGAGACGCCATGGTGATCCTTTGACCAAGAAGCTCAAGATCAAGCAACAGCCTACTTATG  
TATCCAACAAGCGTAAGCGCAAATTGATGAAGAAAAACGCAGAGAAGAGAAGGAAGCTTTACAGATGGGT  
CTCACGAACATGGAAGATGTTGAAATGGCTGTTGCTGAAGAACTTAAAAACCAACCGGACGTCCACCAAGT  
TCCATGTGAAGAAGAGTGTAAAGGCTCAGGCAATTAAGGAGCAAAGGCAAGAAGAATAAAGGGAAATCTTCTT  
CAAGTTCGGGTTCTACAGCATCAGGCGATGCTATGGTAGAGTAAATTAGGTTGAAGAAAGCCGTTTTGTTTG  
TTTTATTTGGTTTTGAATGTCAATACTTCTTCTGTTGTAACATCATATTTTAGGTCGTATTAAGTGCAATTATCT  
GTAGTTTGGAGGAAAAGATTCTAACTGGAAGTTAAGATATTTGATTGAACCCTAAAATGATGAAGATGTAGAT  
TTCTTAGATACAAAAAGAAAATCGATTTTTTTTTTAC

>trans\_c\_5492 NM\_001060598|Oryza sativa Japonica Group Os04g0645100 (Os04g0645100)  
mRNA, partial cds

ACTATCATCAATCACAGAATTCAATGATAAAGATCAATCGATCGATTCAAGATTATATTCTGACCTTACATACA  
GGGACCACGCTCACGACGTCGTTTCTCCGGAACGGATTCCGGGCATTCCAAATCGAAATCTCTCGGCGCCAATT  
CCAGCCCTACCTTGTGACAGATCCCTCGAAGAATCGACAGCTTTCTCAAGTGTGGGAACCTCGTTGCTCAATCCC  
CACTCGAATCTCTTCTTAAGAATGTTGGAAGCCATTGCAGTCTCAGAGCTCCGTCTTCGTTTACGTTGTTGTTG  
TTGTTGTTGTTGTTGTTGTTCTCGTCGTCTTCTGATCCGTAGCTTCCGAGGAGGAAGTTCAGGGAGGAGGCTAT  
TACGGCGGATAGATCTGCGGTGTTCTTACGGCGGCGATTACGGCTTTGATTACGTGCTTGAAGGCTCGAATT  
ACCATCTCGTGAATGCATAGTGCTTGTATGTGTGGAAGCTTCTCCGCTAACTCCACCTAAATCCCATATTAATCA  
ACATTATCATAACTTTTAGGTTTGTCTTCTAAAGTTTTTGTCTTAATTTTTTGAAAGAAGAAATTCTCAGCAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5493 Novel Gene

AGCAACATTGTTTTAGCGGTTACATAAAAAGGCCATCTCCTCTTTCATTTGTTTTCTCTGAAATTAGGGTTTCC  
GTTCTTTTTGTTGCTGTTGGTGGCCCTCGTCGCAGCCGTTGCCGAATCTCCAAGATGCCGTCTCACAAGACC  
TTCAGAATCAAGAAGAAGTTGGCGAAGAAGATGAGACAGAACAGGCCTATTCCTCACTGGATCCGTCTTAGG  
ACTGATAATACCATCAGGTACAATGCGAAGCGAAGGCACTGGCGCCGCACCAAGCTCGGATTCTGAGGTGCT  
TTGCTTGTGATTTTCTCTTCATCCTTGGAATTGTTTTGAACCTGTTTAAGCTTTAGTTATGGAGAAGACGAAGA  
ATATAGAGCTAGATTTTTGAATTTTTGCCTCTCAATTA AAAA ACTTGTCAAAGAGACCCGTGTAGTTTATAGGCT  
TCTGTGCTAAATTTATGTCTGAAGTGATCGTCATTGGACGGTTAATCTCGTGTTGTTTTGTTAATACTATTCT  
AGTTCAGTTTTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5494 NM\_179284|Arabidopsis thaliana THA1 (Threonine Aldolase 1); aldehyde-lyase/  
threonine aldolase (THA1) mRNA, complete cds



>trans\_c\_5498 FJ264198|Nicotiana tabacum ubiquitin specific protease 12 (UBP12) mRNA, complete cds

AGGATTCTGACATCGTCTCCAATCGTTTTTCAGAGGAGAGACATTTATGGTGCTTGGGAACAGTACCTTGGGTT  
GGAGCATTGAGACACCACTCCCAAGAGGTCTTATGCTGTCAATCATAACCGTGCCACATATGAGAAACCTGTG  
AAAATATACAACCTGAACATAGCCATCTTCTACGAATACTTGAGCCGTATGAAGTCCCCACTTCTTCGAATATGG  
AAGAAATGTAGAATATGCAAATGAGAGGTGCGTATGAAGAAACAAAGCTCCTATTGAAGCTACTCTCTAGTG  
TGTAGTTATAGGAATTCAGTGATATAGTTTTGTTTTCCCTTTCTTTTTTCGTTTAAATCGAGCGGGGGAGG  
TTAGTTTTTCCTCGGGCATTCTTACTGTTCAATCTTCCATCTGGGGCTCTGCCATTATGTTTTCTAATCAACTCA  
TTAAAGCTTCAGCTTTTTTTACAAGTTTGGTGGGTATGAAGGTCTAGTGTAATTTACCAGGTACATAAGCAAC  
TTCCTTTTTCTTTCTTTTCCATCTGAGGGGATGTATATTGAGTTTATAGTTGGCAGTGTTTTGTCTCATTCA  
TATTTTACCCTAATTACCCTATT

>trans\_c\_5499 U96925|Vicia faba immunophilin (FKBP12) mRNA, complete cds

AACACAAAGCAGAGGGAGAGAGTTTAGAACCACAAAGCAAAAATGGGAGTAGAGAAAGAGTTGCTGAGATC  
TGGAACCGGTCCCAAACCCACCGCCGACAGTTGGTCACCGTCCACTGCACCGGCTTCGGAAAGAATGGCAA  
TTTGTCTGAGAAATTTGGAGCACAAAGGACCCTGGACAGAAGCCTTTCTCATTTAAATTTGGTCAAGGCGCA  
GTTATAAAAGGTTGGGATGAAGGTGTGCTTGGCATGCAAGTAGGAGAAGTTGCTCGTCTCCGGTGCTCTCCA  
GACTATGCTTATGGCCCTAGTGGATTCCCTGCATGGGGCATAACAACCAATTCAGTCTTAGTTTTGAAATTGA  
AGTTCTGAGTGCTCAGTGATCATCTCTTTTAAATTGCAAATGTAGTTTGTTATGAGAAGCTTTGATTTTTCTGT  
GTTTTCTTGATGAATAATTGCCATCTATTCGAACATGTTATGTATGTTTAAATTTAAGCAAGTTATGATCCTCTT  
GGTTATGAAGCTGTATTTGTTTTGGCCTTTATTATAACTTCTATTATGACTACATTAACAAGAAGAATTGTTGT  
GCCTTAATAATAGTAAGGTTTTGTTTAAA

>trans\_c\_5500 Novel Gene

TTATAGTCGCAGCCGTAGTAGAGGCCGAAGTAGGAGCAAGAGCCACAGTAGGAGCAAGTCTCCAAAAGCTA  
AATCTTCCCAACGGTCCCCTGTTAAATCTCGATCAAGGTCTGCTTCCCCCGCACGCTCACGTTCAAAATCATCAT  
CTCTCTCAGGATCGCGATCAAGATCCAGGTCTCCAGTGCCCAATCGTGAGAAACGTACTAGTAAAGTCCCAA  
AAGGCGTGATGCTAGCAAAAGCCCTAGCAGGAGCAGAAGTAGGAGCAGAAGCAGGAGCCGAAGCAAGAGC  
AAAAGCAAGAGCAAGAGTCCTTCTCGATGAAGATGGAGGCCGAGATGTCCATTTCTACATGGATGGAGTGAA  
GTTGGAATCAATGTATTGAACTGTGAACCTGTCAGGAATAGACTCCTATTAGACTTGAAATAGTATCTATGTTT  
TGTTTGGACTTTTAATGTTTCCGCTATTTTTATAGGATGTTCTCAGGCGAGAGTGAGAGATGCTTGAAATGTTT  
CCCCTAATTCACATTCTAGCTTCTGTGGTTCTTAAAACTTGTGATACTTTTAACATTTCGTAAAAAAAAAAAA  
TAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5501 AY107168|Zea mays PCO087750 mRNA sequence

ATTGCACCCACTATGCGATGCCGTTCCCTATCCTTTACCACTAATAGAATAATCTCTGTACAGTGCTTTTCCACT  
TTTACTCGTGCTATCATCACTGGCTCCCATTTTATCCGACGGCAAAGAACTCCCTATATATTTCCGAAGAGTTC  
TTCTCTGGGGTGACGTGTGGTTGATTCTGAATTTGAAACCCTTCCTGTTGATAGAAATGGGCGGAAGCAATGG  
CCAGAAGGCTAAAATGGCCCGGAGAGAAACCTGGAAAAACAAAGTCGTCAAGAGGAAGTCAGCTGGAAA  
CAAACAAGAAAGCCATGACAATACAGTGCAAGGTATGCATGCAGACATTTATATGTACAACGACAGAGGTGA  
AGTGACAGAGAGCATGCTGAAGCAAGGCACCCAAAATCTGATGTACATGCTTGTTTTCTCATCTTAAGAAAAG  
ATAATCAATCAACTTTTACCTTTATCCTCTCTTCTCTCTTTTGCCCAATGCTCCTACAGGCTACACGCCTT

TCAATGTAATAACATATGCTTATGGTAAAAAAAAATTAATATATATACATACATATGTTAATAAAAAACCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5502 DQ138370|Manihot esculenta neutral/alkaline invertase (nINV1) mRNA, complete  
cds

CTCATACAGCTGTAAACAAGTTCAATGTCATCCCTGATTCAATCCCAGAATGGGTGTTTGATTTTATGCCACA  
CGTGGTGGGTACTTTGTTGGTAACGTTAGTCCTGCAAGAATGGACTTTAGATGGTTTGCTTTAGGTAAGTGTG  
TTGCAATTCTAGCATCTCTTGCCACCCCTGAGCAATCAATGGCTATTATGGATCTTATTGAATCACGCTGGGAA  
GAGCTGGTTGGAGAAATGCCTTTGAAAATATCATATCCTGCCATAGAAAGCCATGAGTGGCGAATTATTACTG  
GTTGTGATCCGAAGAATACCAGGTGGAGCTGCCATAATGGTGGATCTTGGCCAGTTCTACTGTGGCTGCTAAC  
AGCTGCTTGCATTAAAACTGGACGACCACAGATTGCTAGAAGAGCCATCGAGCTGGCGGAGAGTCGGTTGCT  
GAAGGATAGTTGGCCGGAATACTACGATGGAAAGTTAGGAAGATATATTGGAAAACAAGCGAGGAAATACC  
AGACATGGTCGATAGCAGGATACTTGGTTGCAAAGATGATGTTGGAAGATCCGTCACACTTGGGGATGATAT  
CACTTGAAGAGGACNAGCAAAATGAAGCCACTGAT

>trans\_c\_5503 NM\_126761|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L5 (RPL5) (AT2G07725)  
mRNA, complete cds

ATCTGTTGCTCAAACAGGATCACACCAACGTTATGTAAGTTCCTGGATTGTCTTCAATAAGAGTCGTGCCAAAG  
GAACCCATGATTTCAGAAGAAAAAATGGAAAATTGGCTATGGAGATTCTGTGCGGTCAGAAATTGATACAG  
ACAAGGGGTTTCGACAGGAAAGTCCTTTTCGATCCAATCCATTCTTGGAGTCAGATAAAGACAAAGGATATGTCA  
GTGACCTAGCACGAGAAAGCACTCTCCGAGGGCATGAAATGTCTAATTTTTTTTCAAAATCATTATAGGAATA  
GTAATGTCTTTCTTAAATTCTCCGGCCGAAATACGGGAAAACCTCCATGAAATTCTCGATGGAAACGGAGTTTTT  
CGAATTCTTCCCGAACTGGCAGATCATTTTCGAGATCTTCTAAGACTCTAGGGTTCAATGTGACTATTGTCA  
GTTTCGGCCAAGACACAAGATGAGACTTTACTACTGTGGAGCGGCTTTTTGAAAAAAAATGGAATTTGAAAA  
AAAGAAAAGATTGAAGCTGAAATCCAATTCTTCTTGAATAAAGAACTCGCACACACTAGATTTCTTGGATTCT  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5504 NM\_122059|Arabidopsis thaliana WAV2 (WAVY GROWTH 2) (WAV2) mRNA,  
complete cds

TCCCAACTTTAGTTTTCTCTGAACTTCAAACCCAATTCATCTTTTCAGGTCTTACATCTTCTTCTTCTTCAAAA  
TCTCATGAATTTCCCATTTCCACCGACCCTGAATTTTCAGTTTCAATTTTCAATTTCTCAAATCGGT  
GGAAAACGACGGCAACGGGAGAGATCGAGTATGTTTCTTATGTGAGTGC GTTGTCTTATGGCGTTGGAGGT  
TTGGTGGTCGCAGGAATGGCGTTGCTGGTCGCTTTTCAAGAGAGATTGGTTTATGTGCCGGCTCTTCTGGAC  
TACTAAATCTTATGCGATTACCCATCTCGGCTTCGCCTTGTATGAGGATGTTGGCTTCGATCTTCTGATG  
GAGTCCGGCTTCACTCGTGGTTCATTAACTCTTCCCGATTGCCGAGGTCCTACCATCCTTTTTTTCCAAGAAA  
ATGCTGGAAATATCGCCATCGTCTTGAATGGTCCGCATTATGATACAGAGGTTACAGTGCAATGTTTTCATG  
CTTTCATATAGAGGGTATGGAGCAAGTGATGGTTATCCTTCTCAGCATGGAATTACTAGAGATGCTCAGGCTG  
GCTTGGATCATCTTCTCAA

>trans\_c\_5505 XM\_002329027|Populus trichocarpa aminophospholipid ATPase, mRNA

CCACATTTTGTAGTAACGATTACCTGTAATCTCCCATATCTTGCTCACATTTCTTCCAGAGAAGCTTCCATCCAAT  
GGATCATCACATTATCCAAGAAATCAAATACTACAGAAAGGATGTTGAAGATACGCACATGTGGACCAGGGA  
AAGATCAAAAGCAAGGCAAAAGACAAAGATAGGATTCACAGCCAGAGTAGAAGCAAAGATCAGACAGTTAA  
AAGGAAAGCTGCAAAAGAAGCACTCTCACTTGGTGTGCCTCAAATGCTACTGCTACTGCTATATCATGAAA

ATATCTCCACCCTAAATCTTCAAAATTTTTGGATTTTTTTCTAGAGTTCCGGCCCATTTGAATCTTTTTCTTT  
ATTTTGAATTTTTTTCTGTTATGGAAAATGGGTATTGCCACCCCCCATTTGGTTATAACAAGAAAGAATGT  
GAATCCGGAGCTTATGTATGTATCATAACTTAAAAAGAATTTGAAATGTAAAGAGCTTGTAGAATAGCTGAT  
ACCCTAAAAGCTTGTGTTCCCATTTCTTTCCCCCACTTTGTTTGTATATCCCCTTATTCATATTCAGAGATT  
CAAAAACCTGACCATGTCACCT

>trans\_c\_5506 FJ647022|Phaseolus vulgaris myo-inositol phosphate synthase mRNA, complete cds

ACCGCCAGGCACACCTGTGGTGAATGCTTTATCAAAGCAGCGCAATGCTGGAGAATATAATGAGAGCTTG  
TGTTGGGTTGGCACCTGAAAACAACATGATTTTGGAGTACAAGTGAAGTCTGGAAGTGTTTAAGTTTGATAG  
AAGTTGGTTTTCTTATATAAATATATATATAAGTTTGTGAAAATATGCAATTAGTTTCTGTTTGGTCTTTTCT  
TGTCTTTTTTTTTCTTTCTTTAAGCCCTCTTTTGTATTAGGCTTGGGGAAGCGGCCCTAATCTTGGGCTACTTA  
TGTCTGAATGGAATTATATATATTTTAAATAAATTAGATCTTTATGTCTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGGCCCTAAACCCAGAAAAAATTAATAAACCCCTCACCCCGGGGGGGGGCCCGGACCCCA  
ATCCCCCCTGGGGGGGCGTATTGCCCCCCCCACCGGCCCTTTTTTAAAACGTTGGGGGAGAAAAACCC  
GGGGTTTCCCCACCTTAATCCTGTTGAAC

>trans\_c\_5507 BT008310|Arabidopsis thaliana At2g01260 gene, complete cds

CAGATCTTGCTTTTCAGTTCCCTAAGCTCAAGACGATACGAAGTTGTGATCTATTGCCTTCAAGCTGGTTTTCTG  
TGGCATGGTATCCAATTTACAGGATTCCAAGTGGACCAACATTAAAGGATCTGGATGCCTGCTTCCTCACCTT  
CACTATTTGTCTTCGCCAACTGGAGGAGCACGTAGTGTTCAATGTCCTGTAGTAACGTATCCTAGTGAGATAG  
ATGGTATCCCTAAGATGTCTCTACCAAGTTTTTGGTCTAGCTTCATACAAGTTCAGAGGGTCTTTATGGACTCCA  
AATGGTGGATACGAGTGGCAATTGGCAAATTCATTTGCACGATGCTGAGGATTGGTTAAGAGAACGTCAA  
GTAAATCACCTGACTTCATCTTCTCAGCCGAAGGTGAAATCCTTGCAACATCTTCAATGCCTAAACCTAAAG  
CTGGAAACAATATCATCGTTCAGTATGATGTCGTAATTTGCTCTTTGTGCCGCTGTTCAACTTTCAGAAAAATGG  
AAAGGAAAAAGGAAAAAGAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5508 Novel Gene

TCTCAAACCATATGTCGATCGTGTTGCTATCATAATGAAACCTCATGTTGACAAAGTTCAAGTAGCCTTAAGT  
CCATACACAAAGGATGTAGTGCATGCTTGTGGAAATTTTATGCAGTCTGCTACTACACATCGTCAGAAGGTTA  
AATCTACCATCCAAGAAGTGCTCAACAGGCATGACATTACAAGACCGGCTGCTTCTACAGAGTTCGAGTGGCT  
TTTGGATTCCGCATTATTGGTCTTACCTGTGTTAATATTGTTCCATCTTTGCTCTTGCTGTGGCATATTCCGTAAA  
AAGGCAAGGACATCTGTTGGGGTACCAACACCAACCATGGACGTCGTAAGGCTAAAAGGGAACTTCTGGG  
AGGTGAAGTGTAAACATCGTTTCTGGTCTCTGTTGTAGACGAAATTTTAAAGGTTTGTCTTATCTTTGACATTT  
ATGTTTCAAGATAAATAAATGAACCGCTGTTACTATATATATGTTACTCTGAAGTGGTATATGTTAAAACTTAT  
TCCATTATGCACATTCCCTTAATTGATTGGTCTTTTGGCCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5509 AF304544|Mytilaria laosensis PsaA (psaA) and Ycf3 (ycf3) genes, partial cds;  
chloroplast genes for chloroplast products

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAACAAACCGTATTTATCACTCTTACATTACCTACAAACAAGAAACCAA  
AGTTGAATCTTCAATTACAATGATTCACGAAAACCAAAGGAGCAAAAAAAGGCTTTTATATCGACCTGTTTT  
ACAAAGCTTGAAAGGAAATTTTATCCATATACACAAAAAAAAAAGAGACATACATCTTAAAAAGGGGTCA

CCAAAAGAAATGGTTCCTAACCTTATCATCACCAAAGTGCCCTTTCTTTTTTTCTGGCTTTGGTAACAACTAG  
CAGTTATGGTTTTACCATCTGCGTCATCTAAACATATAGTAGCAAAATATACTGTAGAATTCACGAACAAGCAC  
GTGACATGTATTCACCTATCTACCAAAATTTGACTTCTGGTCCGGCGAACGAATAATCATTGAGTCCTCCTC  
TTCCGGACAACACATACAAAGAGACCCGCCAATAGTTAAGTAATTAGTGAACCTATGAGAGATTTTTATACTT  
AGTTTCTTCTCTGCTATCTCCAGAGAGGTTTTTTTTTTTAGTTATTCACTAGAGCAATTATGATCTGGAAGTT  
GATCCGGGGCAAGTGTT

>trans\_c\_5510 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

GCGTAGGCCTCCCAAAAGGTAACGGAGGCGTGCAAAGGTTTCCTCGGGCCAGACGGAGATTGGCCCTCGAGT  
GCAAAGGCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAGACCCACCCGTCGAGCAGGGACGAAGACTAATTCCGACAGCTT  
AGTAACATTTCTGTTCTTTAATGCGCTCAACGGATAAAAGTTACTCTAGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCAA  
GAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTGGCACCTCGATGTCGGCTCTTCGCCACCTGGGGCTGTAGTATGTTCCAA  
GGGTTGGGCTGTTGCGCCATTAAAGCGGTACGTGAGCTGGGTTTCAGAACGTCGTGAGACAGTTCGGTCCATA  
TCCGGTGTGGGCGTTGGAAATTTGAAAGGAGCTGTCCTTAGTACGAGAGGACCGGGATGGACACACCGCTG  
GTGTACCAGTTGTTCCGCCAGGAGCATGGCTGGGTAGCTACGTGTGGTAAGGATAAGTGCTGAAAGCATCTA  
AGCATGAAGCCCCCTCAAGATGAACTTCCCATCACTTCGAGTGAGTAAGATCCCTCAGAGACGATGAGGTT  
GATAGGTCGAGACGGAAGTGTGCGTCAGTGTGTGT

>trans\_c\_5511 Z24738|B.rapa ubiquitin and ribosomal protein mRNA, complete CDS's

TAAAGCAGAGAGAGCATTAAACGAGCGGCGCCCCAAGATGCAGATTTTCGTGAAAACCCTAACGGGGAAGAC  
GATTACGTTGGAAGTTGAGTCCAGCGACACCATCGACAATGTCAAAGCTAAGATCCAGGATAAGGAAGGTAT  
TCCCCCTGACCAGCAGAGACTTATCTTTGCCGGGAAGCAGCTCGAGGATGGGCGAACGCTCGCTGACTACAA  
ATCCAGAAAGAGTCGACACTACACCTGGTGCTCAGGCTTCGTGGTGGTATTATTGAGCCGTCTTTGATGGCAT  
TGGCTAGGAAGTACAATCAGGACAAGATGATCTGCCGCAAGTGCTATGCCCCCTGCACCCTCGTGCTGTCAA  
CTGCAGGAAAAAGAAGTGTGGACACAGCAACCAGTTGAGGCCAAAGAAGAAGATCAAGTAGACCGTTGATT  
TTGATCAGAGAGTATGCAAAAGTCTATGCTTTGATTTATTTTCAGGATTGCTTATGCTTAGAGCCATTTGGCTT  
ATACTCATTAGGAGTTTGAAGTGTATGTTTTTGCTTTTTAACATTCTCGAGAAACGGCATGTTTTGTTGTTGA  
ACTGAGTACGAAATTTTCAGCTTCTTATTTCC

>trans\_c\_5512 XM\_002881703|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 5  
(UBP5), mRNA

CAGGGTTGTAAATCTTGGTAACACTTGTTTCATGAATAGTGCAATTCAATGCCTTGTCACACACCTGAGTTT  
GCCCCGATATTTTCGTGAGGATTATCACCACGAGATTAAGTGGCAGAATCCGTTGGGCATGGTTGGTGAGCTTG  
CCATGGCATTGATGACTTGCTTAAGAAGCTATGGGCTCCTGGACGAACGTCTGTTGCTCCCCGTCCTTTAAA  
GCAAAGCTTGCTCGTTTTGCACCCAATTTAATGGATATAATCAGCATGATTCCCAAGAACTTCTAGCATTTCTG  
CTCGATGGTTTACATGAAGATCTGAATCGCGTAAAGCACAAAGCCGATATTAAGTCCAGAGATGCAAAATGGA  
AGACCTGATGAAGAAATTGCTGATGAATATTGGGCAAACCACATTGCTCGTAATGATTCCATTATTGTCGAGG  
TGTGCCAAGGCCAATACAAATCACTTTAGTCTGTCCCGTGTGCAATAAAGTTTCTGTCACTTTTGATCCCTTCA  
TGTATCTCTCATTACCACTCCAGTCAACCACCACCCGCACAATGACAGTGACTGTTTTTACTAGTGATGGAAGT  
GAGCGTCCATCAACTTTTACTGTC

>trans\_c\_5513 Novel Gene

AGATAAGATAACATAATAATCTAAATCCCAAGGAGGTATGTTTTCTCGATTGATAGCTCAGACGACTTTTAAAC  
ATATACCGGTTGTCAATCGTCGAGCGCAGATAAAGTGAAGGTTGGGATCTCAAACCTCCAGTGAAAATGTTAT

TTTTCTCATACTTCAAGGATTTGGTGGGCAGAGAGGTGACAGTTGAGTTGAAGAACGACCTAGCAATTCGAG  
GAACTTCGCATTCTGTAGATCAGTATCTCAACATCAAACCTGGAAAACACGAGGGTTGTCGATCAAGAAAAATA  
CCCTCACATGGTTGCAATGATCATCTTCTCGAAATCTGTCAATTTATGAATCTGGAAATATCGGTCTGCATGGA  
AGAGCCACGCGTCCGGGTCGTCGCCGTTGAATATATTAACATTTTGACTTTTTTGAACCTATTCCGATCGTTCTT  
CTCTTCGTTCTTCTTTGATTCGGGTTAGGTTCTAATCAATTTGTTATCTTCAATTCATTTTGTGGTTGATCCT  
TCTGATTCCCGAGTTGACGATTGTTCTTCATGATTCCTTCTATATATTCAAATTAATTGTTGCCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5514 AL161595|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 91

ACCCACCGATTCAACAAATTCAAAGCCACAGAACACAATTGTGGAAAACATTTTCATTTTCGTCTCCTTTTCTTT  
TGTA AAAACCATGTCCTCCATGGGAGCTAGCTGCGCTAGGGTTTATGTAATGAAAAGAAAGCAGAGGAAAA  
ATTGCAGAGGATGGAGCAGGAGAGATCTGGCAGGAGAGAAGATAACAATCCGTCAAACCTCCAAAACTG  
CCCATCACGGCGGCGGCGGAATTGCCGGCAAATCCAGTAAAAAGTCCATCCCGGTACCGTATTCGGGGTTC  
CGCCACCTCTAATTCCTGAAAACAGGGCTCCTCTGGCTTTTACTTTCTCAATAGAAATTCATGCCAGAGTCGA  
AGTTTTTTGTGCCTTTTCTTTCTTTTCTTTTCTACGTCTTGTGTAAATTTTGAACCTCCTTTGGTGATGTGATC  
TGGCTAGAAACGAACTAAGGAAGGTAGAAAGAATTTATGGGTTATATTTTCTTTTCTCTCTTCGTCTCCAA  
CTTTGGTGTGGATTTGGAGCGTTGTTGAAAATGTTCTAGTTCATCAAAACACGTTAACAAATCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5515 NM\_105997|Arabidopsis thaliana SUS6 (SUCROSE SYNTHASE 6); UDP-  
glycosyltransferase/ sucrose synthase (SUS6) mRNA, complete cds

GTAACATTATGGCTTCTTTGGTCGTAAAAATCATAATGGAGAGTCCGTTGGTGATGGAATTGTAGGAGCATTG  
AAGCAAAACCAAATTATATGAAGACATGCTTTGGTAAGTTTGAGAGAAAGGGAATAGGAGCTTGAAGAAG  
AAGGAATTGATGGAGGAAATGGAGCTTGTTATTGATGATAAGATAGAAAGAAATAGGGTCATGGAGGGTAT  
CCTCGGTCATATGTTGACTTCAACTCAGGTGGCGATTGTGATTCCACCATATGTTGCATTTGCAATAAGACCAG  
AACCAGGATGTTGGGAATATGTTAAAGTTAGTTCTCTTGATCTTTCACTCCAATCTCTCACTTCAACTGAATTC  
TCAAGTTGAAGGAGATGATTTATGACGAGGAATGGGCAAATGATGAAAATGCATTGGAAGTGGATTTGGAG  
CAATTGAATTTACAACTCCTCACTTAAGCCTCCCATCTTCAATCGGAGATGGACTTAGTTATACTACAAAGTTTC  
TCACCTCAAAGCTAAGTGGGAAGTTGGAGAATTTACAACCTCTGTGGATTACTTGTGTGCCCTTGATTACCA  
GGAGAGAACTTATGATCAATGAACT

>trans\_c\_5516 NM\_129542|Arabidopsis thaliana DAR2 (DA1-RELATED PROTEIN 2); zinc ion binding  
(DAR2) mRNA, complete cds

AGTTGATGCACGGTTGGCTACGGCTAAAAGGATATCGCAACCTCAACCCGGAGGTAGAAGAAGGTATATGTC  
AAGTACTTTCTACATGTGGCTTGAATCGGAAGTAATGCCAGGGCTTAAATCAGGACCTTCGACATCTACCGC  
ATCCTCATCTTCTTCTTCTCCTCATCCCACTACTCTTTATCATCAAAGAAAGGTGGTAGATCTCCGCTGAAAA  
AACTGGGTGAGTTTTTCATGCACCAAATAGCGAACGATGCCTCGGCAGCTTATGGGGAAGGTTTCAGAGCT  
GCTAATGCAGCTGTGAACAAATATGGATTGCGCCGAACGCTCGACCATATTTTCATGACCGGAAGCTTTCCCG  
TATAATAAACGATGTGCTGTTGTTAGTTTGATGTGGGAGGAGATTGTTTTGTTACCAGATAGAGCTCAATATA  
GAGAGTTTGGAATTACTCTGTTTATTCTCACTTTGGTTTAGACATGATCTGGTTCAAAAGCAAAGTCTCTTTTCC  
AATAACATGTATTCTTCTTCTTCTTAACCTGTTTAAAAGTGTTCAACTCCTTAGCTTATTTCTTTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5517 AF211540|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 75 (ACRE75) mRNA, complete cds

AACAAAAAAGCAAAAGAAAGAAGAAAACAGAGAGGAAAACACAATCAATCAACTTTGTTTTGAAGAACCATG  
GGGAAATCGGAATCGGCGAAAGAATGTAAGAGACACCCAAATTACAATCTCTTACCCGGAATTTGCCCTTCTT  
GTCTACGAGAAAAGCTTCAACAATTTTCATCAATCTCCCAATTATTCCGATTCTCAATCAACTTTCTCTCCCTTC  
TTCTTCTCCTCCGATTTTTTCTTCTCCGCCGATTCTCTCGCCGCCACCGTCGCCACCACCACCGTCGTAACGCC  
TCCGAGTTCGTCACTGGGTCGATGGCGGTTGATTTGTTAGCGGACAAGCTGAAGAAGAGCGGTTACATTAGG  
ATCTCAGCCGATGGGAGCACCGGCGCTGGCGTTAAAGGAAAGAAGAACTTGGGTTTTGGTCAAGCTTGCTG  
CTCCGCCCAAAAGCTCTTTATTTTAGTTGATTATTCATCATGTATAAGATTTATTTAGTAAATGAATTAGAATTT  
TTCTCTTTGTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5518 AB207972|Nicotiana tabacum NtFib1 mRNA for tobacco fibrillar homolog, complete cds

ACCCAGCCAAGTACCGGATGTTGGTTGGCATGGTGGATGTAATATTTTCTGATGTTGCTCAGCCAGATCAGGC  
GAGAATTTTGGCTCTTAATGCCTCATATTTCTAAAAGCCGGTGGTCATTTTGTATATCAATCAAGGCCAACTG  
CATAGACTCTACCGTTCCAGCAGAGGCAGTGTTTGCAAGTGAGGTGAATAAGTTGAAAGCAGATCAATTCAA  
ACCGACTGAGCAAGTAACTCTTGAACCATTCGAGCGAGATCATGCCTGTGTTGTCGGTATTTATCGGGCGCCA  
AAGAAACAAAAGGCTGTTGCCTAGTTTACACAATAGGATTTGGTTAAGTTTGTGTTATCCATCGTCTAGTAG  
TTTATGGTTCTCTTATATAGGTTGTAAGCTAGGCCATGTTGAAGAAAGTTTTGTTAATTTTCATTTTGTGGAG  
ACTGATGATAATCGGTTAACGGGGATGTCTGCTCTTTGTTTTGCTTTGTTATATCTTAGATATGTGTAATTTGGA  
TGCTGGCATTTTACTCGGAGCTTACACCTTATGGGGTTGTATTTGTTAAATTATTATTGTTGTTTTTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5519 NM\_180301|Arabidopsis thaliana octicosapeptide/Phox/Bem1p (PB1) domain-containing protein (AT3G26510) mRNA, complete cds

AGGAAGAAGAAGCAAGGGCAAGGGCAAGGGCAAGAGCAAGTGGGTAACCCAAACGCCACAAACCCTCTCCT  
CTCTTATCTTCAATTTGAATACTCAAAAACAATTTTATCGGTGATACGACGACGACACATGGGCAGACCTCCCC  
TCCACCGCAACGCACTCACCTTCAGACCTACTCCACCATCAAGTTCCTCTGCAGCTACGGCGGCAAGATCCTC  
CCTCGTTATCCCAGCGGCAAACTCCGTTATCACGGTGGCAAACTCGCCTTCTTTCTGTCAACCGCTCCATTTC  
TTCTCTGAAGTCTGTTGAAGTTCGGGGAGCTCTGCGGAACCTCAATTTCTGTGACCTTCCGTTGCCAGTTGCC  
TAGAGAAGACCTCGATGCTCTAGTTTCCGTTACCTCCGATGAAGATCTCGCCAATCTCATCGAGGAATACGATC  
GAGCGGCTTCCCCTTCCTCGTCGTTGAAGATCAGAGCGTTCTCTCGCCTCCCAAATATGGCAAAAGAATATCG  
CCTCCTTCTTCAATGACTTCCTTCTCCTCCGCGGTGGCTACCGTTGTTTTGTCCGATGTCACCACCAAATGCCT  
CCCACTTGGAGAGATCTGCA

>trans\_c\_5520 AL161595|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 91

ATATAAAGAATTCTTGTAATAAATTCCTTGCCCATATTTGAGATCTTCTCTGTCATGGAGATCGTCAACTTTAT  
GACAACTATGTTCTTCTCTTTCTCCTTGCTACCCCTTCAATGGCTTCTTCTGAAGGTGGATCATCTGAATATAAT  
AATGGTGGGATAGATGATGATGATGATTTCATCGTCATCATCAAGAAGATATGATAGTGTTTATGAAATAGATT  
ATAGAGGACCAGAACTCATTCTCTCATCATATTTCTCCACCTGATCACTCCCATGGAAGAAGGCCTTGGATC  
ATTCATCATCATATAATCAACTTCTCAACCCAAACAGCAAACTAATTCTCTCAATCCTACTCCTCCATAACCCA  
CACAATATATAAAGGGAATCAAAGTGGGTGAATGGTTAAAGAAGTCTGGGAATTAAAGCAATGTTTCAATCT



GTTTAAAAATTAAATCAAATTTAATGAACTTAGAGATATATCTTCTTTGTGTTTTCTTAATTATAATTTGTACAT  
CACTCACAATAAAATGTATGTCGTGTGTGCAACTCAATGTTGTTAAGTTTATAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5521 NM\_001036782|Arabidopsis thaliana CD2-binding protein-related (AT5G09390)  
mRNA, complete cds

CGAGCATGCAGATCCATCTTCTAATGAAAATTTAGTTGCTGATGCCAATGGAGTCGATCAACAATTTCCCAGTA  
ACCTTAACCTAATTCTGAGAGTGAAGCTTCACAGAATGACTATGTTTATGATGAATCCTCAGGGTATTATTAC  
AGTAGCAGTTTGGGGTATTATTATGATCCATCTACGGGACTCTTTTGTCTGCTACGTCTGGACGATGGTACTC  
TTATAATGAGGAGACTGGCGCATATGATGAACTCCATGAAGCTTCTGCCCTAATGCCAATTGAGAAATGATG  
AAGATCTGATGGAGGGAAGTGTACAGAATACTGAACTGAACAACAAATTGGAAGATGTGGTAATGGGTAAG  
GTTACAGTTGTCTTTGTACTTTTCACTTTTTTTTTCTTGAATATCATTGTAAGTTATGTTCTACAATTGCTGTTTG  
ATTTTGTATTACTTCACTGAATTCTATCAATGGAGTCACTTAGCATGGCAAGGTGGCCAAATGCAACTTTCTTT  
AGGCTGGATTTTGTATTTTAAAGACTTAGTTCTATCTCTATAAACAGGGCAATTACTTGTTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5522 NM\_001074142|Oryza sativa Japonica Group Os11g0246900 (Os11g0246900)  
mRNA, partial cds

AGGTGGAGTGTTAGAAGAGGTGAGCAACGGAAGGGAGCTTTTAGCTGTTTTGGAGCATCATCTTCTCCATTT  
TTGCTTCACAAGTTCAAGGTCACTTAGCCAAGACCGTCGTTATTGTATCTTTATCTCCCACTCCTCAAACGAA  
AAAAGAAAAGAAAAGAATAGAAACAAGAAAGAAACGAAGAACAAGATAGAGAATGAGAAAGACAGTATTG  
CGAAGCTTGATCGATATTCAATTTAACGGGATAGTGCGAAGCATTGTCAGCTTGCCTATTTTTCTTCTAGCCT  
CTGAAGTTGAATCTGCCTGGTTATTTTCGAGATAGGTGGCCCTGTTTTGAATGAATGGTTCATCATATCTTATG  
TTAACGCACATTTAATGTAGGATGTGGAGCAACCACTGTTAGAAGGTTGACCTGAACGATGTGTACATTACT  
GGTATATATCATCTTTTGTCTCTGCCATGTGAATTACTGATAATGAGGAACTTAATATCGTGTGACGCGTCAT  
CGTCCGTTGTCTCGGTCTGTAAGTGTGTTCTTGAGGCCAGCAACGATGTTTTGTTCTTTTTTCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5523 NM\_001064777|Oryza sativa Japonica Group Os06g0653900 (Os06g0653900)  
mRNA, complete cds

ATATTTTGTTCGCCATTTTATTAATCACACGAGCCGGAGCCGCATTGAAACAAACAAAAATGGACGCCATTGA  
TTCCGTCTTCGATCCACTCCGGGAGTTTCGCTAAGGATAGCGTACGTCTCGTCAAGCGCTGTCACAAACCCGATC  
GCAAAGAGTTCACAAAGGTCGCGGTTTCGTACAGCGATTGGCTTCGTTCGTATGGGATTCGTTGGTTTTTCGT  
CAAGCTCATCTTTATCCCCATCAATAACATCATCGTCGGATCTGGCTAGCTGAGGCCACAAAAGGAGCAGGCC  
GGACAATATAGAAGGGAAGTGTATCAACTATTTCAAATTCCTACCAATGTTTTTATTAATTTTAAAAGCTTAATT  
TATTTTCTAGAGAAGTACCAAACTCCATGAATAGATGTAACGAATTGCTAGGATTATGTCTTACTCCTGATTAA  
TCCAGTGTGCTTGTTTCATGGTCGATAGTTATTTTAGAGTATAGAGACTGAGTTTTTGCTTTATGATATAAAAGT  
AAGCTTCCTCATCGGTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5524 NM\_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)  
mRNA, complete cds

ACCAAGCAAATCATAAAAAAAAAACATACGAACATTTTGCTCCAACACTAAATCGTATCATTTCTAAGAAAAAT  
GTCTCGTGACAGCAAGCAAGCTACAGCTCTCCAGGGAGGATATAAAGGAGATTTTATAGAGAGCACGACATCGA

TGGAGATGGTCGATTGAGCTTGAGCGAGATGGTGAAGGCCTTCGGGTTCTTTGGCAGTATTCTTCCTTTCTAC  
AAAGCACACTATGGAATGGCTCATGCTGATGAGAATGGCGATGGTTACATCGAAGAGGAGGAGCTCGACAA  
GCTCGTTGACTATGCCGAGAAGTTTCAGCACAGAGAGGAAGTGCTGAGGTTATATGTAATTTTCCTCAGTCTG  
CTGATCATAATGTCATGACACTTCCTATTTCCATGCACTACTTTAAATATTACTCTCAAGTTTAGAAGTTTAAATG  
TGTTGTATAAATAAATTAATAAAAAAAAAAATGAAGAAGGGCTAGGCTACCTAGCTAGCTGAAAGTCCTGCTTG  
CCTTAGCTATCAAATGGGATGTTGTCTCTGTGTTTCAAAAAATCAAATAAACAGAAAAATAAATTCATACGAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5525 NM\_112695|Arabidopsis thaliana RACK1C\_AT (RECEPTOR FOR ACTIVATED C KINASE  
1 C); nucleotide binding (RACK1C\_AT) mRNA, complete cds

GATAACCAGAATTATAAAATTTTTATTAGCTTCAAAATATCAATAAGATATAGTTACAATGAGTAGTACAACCA  
ACTCTGATATTGACACTTTTACATTAGAGTCATTTGGAAGGTTTGCAATTTGCAAATATAAAAACGCCACCTGGC  
CAAATACATACGTATTGGCGTGTGACTGAGCATGAAGTTATTCCTGTGCCTGATGGAAGAAGAGTCAGTCTAG  
CCTATGATGAGGAAGTAAGAACAGCGACTGAACTTACCAAAGAAACCGTTAAAGCTGAAGTGCTAGATACAA  
CATCTACCAAGACATGGAACTCTCAAGCCCAATATGAAAACTCTTGCCTACTAACCATGGCAGCATGGTCTA  
CATCATCTAGTCTTATGAGGGGAACAAAAGTAGAAAATGTGTGAATAAAATCAAGAGTACAATATAAACTCTT  
GGTCTATAAAGAGTGTCAGTTTTGTCTTAGAGTTATTAAGTGAGTCAATGAGGTTTAAAAAATATGTTT  
AAATTGTTGTGATTATGCTTGACCTTGATAAATAAATGTATTGATGATGTGGCATTTCATTTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5526 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

TGTGGCCTAGGGTATGAGAACTCCGCAGTTAAGCGTGCTTGGGCGAGAGTAGATGATCTGGTTTGTCAACAG  
GTTTCCTGAAGATGTGGTACAAAATCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATG  
CTTAACACATGCAAGTCGGACGGGTGGTTCGGGGAGCTAGGCAGAAGGAAAAGAGGCTCAACGCTTTGTCTC  
GCCTTTCAAGGTGGGAAGAGTTGAGAACAAAGTGCGAACGGGTGCGTAACGCGTGGAATCTGTATCCACT  
GGTAAATTGGGCAAGTCCTCCCTAGCCCCCTATAGTTTTGATGAGCCTGCGTAGTATTAGGTCGTTGGTCAGG  
TAAAGGCTGACCAAGCCAATGATCAGTAGCTGGTCCGAGAGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGACACG  
GCCCAGACTCCTACTTCTCTACTAAGTGGGGAATCTTGGACAATGGGCGAAAGCCCGATCCAGCAATATCGCG  
TGAGTGAAGAAGGGCAATGCCGCTACATTCGAGAAAGCTCGAGTGCGCGATCATGACAGGACTCGAGGAA  
GAAGCCCCGGCTAACTCCGTGCCAGCAGCCGCG

>trans\_c\_5527 AY147840|Polaskia chichipe microsatellite Pchi5 sequence

ATTTTCCTGAAGAAGGTTTGGGAAGGCTAGTTATTTCAGAAACATTCAAGTTGTTGACAGCTCCAACAATCTC  
AAAGCTCCCAAAGGATTGGGACTTTTACAGAGCAATCCAACTGCTATGATGTCCAACTGGCAGCAATGGG  
GATTGGGGCCATTACTTTTACTATGGGGGCCCTGGCAGAAACCAAATTGCCCATGAGGACTATTTCAATGTA  
AACTCTGTCTAGTGTTCGCCCCATTCTCTATCTCATGCCTGTAACAATATGCATTCAAAGCTAATGCATTCTC  
TTATCTCTCCTTTGTATACACATCCTTTAGATCTTGTGAGATTGGGGCAGAAAGGTAAAATACGAGCTTTCAAT  
ATTGTGAAGCTTTGGGTCTTCAATTTATAATTTTAAATTTGTTTGTAGTGGTGTGAAGTTGGGAAGGGATAAAGA  
TGCTTAAAAAGCTTGAAAGGAACAAAGCTTTTGTGAAGCGCACTGTATTTTATTGTAGTTTACTCTCTCTAA  
GAGGGGATGGTTAATCAATTAATGAAATGTGGTCTGTTGATGCAACGGGGCCTTTTGGCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5528 AB300310|Brassica rapa PsbQ2 mRNA for oxygen-evolving enhancer protein 3-2,  
complete cds

CCGTTCTGGGTTGATGATCAAAGCCCAGCAAGTTCCTGCTGAGCCTGAGACCAGCCGAGGGCTGTTCTTGGC  
TTGGTCGCCGCCGGTCTCGCTTCCGGCTCTTTTGTTCAGCCGTCCTCGCTGAAGCTAAGCCCATCAAAGTCGG  
TCCTCCCCACCTCCATCCGGTGGACTCCCTGGGACTATGAACTCGGACCAGCCAAGGGACTTGGACCTGCCA  
TTGAAAGATAGGTTCTCCTGCAACCACAAAGTCCAGAAATGGCTGTGGCAAGAGCAAAAAGAATCAGCCAAA  
GACATTATCAATGTAAAGGGGCAGATAGAGAAGAAGGCTTGCCATTTGTTTCGTGATGACCTTCGTCTTAAAG  
CAGAGTACCTTCGTTATGATCTCAAGACAATCATTTCTTAAGCCTAAGGAAGAGAAGCAGGCCCTTAAGGA  
CCTCACAGGAAAACCTTCCAAGACATCAACAATTTGGATTATGCAGCAAAGATTAAGAGCAGCTCAGAAGCA  
GAGAAGTATTATGCTCAGACTGTGTCAACTCTCAACGATGTTCTCTCCAAGATTGGTTAGAAGTTTCTGTTAGC  
CCAGCACGGGTAATAGGTGTGGA

>trans\_c\_5529 X02217|Tobacco chloroplast genes for tRNA-Glu(UUC), tRNA-Tyr(GUA) and tRNA-  
Asp(GUC)

GCAGCGGGGATTTCGACTTCCCCTGGGGGTAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCT  
TGGAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCGAGCGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTC  
TACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCAATATATCGCGTATCCACCATAAAATGATATAACCTATTTGTCCTTCT  
ACAGAAATACTTGATATGATATGAAAGAATAAAAAAAACTCTTTTTTATTTCATTGACAGATTGATAATCAAT  
CAATTTTACAATAACGAAAAAATAAATATTAATCCATGCTTCTCACTAAAAGTCCATGTCTCCGCGCATATCAA  
TCTATTACTTTATTACTCGCGTCTCTGTCTGGTAGAATATGACAATTCGAATCAAAAATCTACATAGAAAGTTT  
GACTGAAATTAAGCCAACAACATATGTTGTACACTTTATTTCCCTGGGATTGTAGTTCAATTGGTCAGAGCACC  
GCCCTGTCAAGGCGGAAGCTGCGGGTTCGAGTCCCGTCAGTCCCGATGGATCCCAATCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5530 X80469|T.durum mitochondria genes atpA and atp9

CCCCATGAGGGTCCCTGTTCTGTGAGATGGGTCGAGTCCTATCTGTAGGAGATGGAATTGCCCGAGTTTATGGA  
TTGAAGGAGATTCAAGCTGGGGAAATGGTGGAATTTCCAGCGGTGTCAAAGGAATAGCCTTAAATCTTGAG  
AATGAGAATGTAGGCATTGTTGTCTTTGGTAGTGATACCGCTGCCGGGGAAGGAGATGGTCAGAACTTCAGG  
TCTATTGGAAGAATGTTAGCCCTATTGAGGTTAAGTTCACTGGAAAAACAAGTGATGATTTGTAAGAAATTT  
AATCTCTTATGTTCTTATATGCTCTTTTTTTTATGATGTCAATTATGAATCATACTCTTATATTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAACCAAAAAAAAA  
AAAAAACCCAAACACAAACCACAACCCCCCCCCACCCCCAAAAA  
AACACCACACCCAACCCAC  
CCAAACAAACAAAAA

>trans\_c\_5531 DQ778737|Coffea canephora microsatellite ES25 sequence

GACATATTGTCACCATACAGAAGCTCAAGAACAGCCAAATGCCCATCCATGGAACCCTGAGCCGCCGGAACAC  
CGAAACTCAACTTCAAAGGTCCAGAATCATCATCTTCCGGGGCTTCATCTATCTGATAACAAAGCAGAAAAA  
TACTTCGATCGGCGAAGAACATGTGAATGAAGATAAATCTGAACATCGGAAGACGACAGAGAATCAGAACCG  
GATGAATCAAAGGAGTGACCTCCGAATACAAACGGAGAAGAACGTCCGCAGTGGAGGCTTCGTTGAAGGA  
GCCGCCGCGGGGATGGAGGAGAAGGATGAAGAACGGCGGAGAGAATGGGGTTTCTTACAGACTTCGGTT  
GAGGAGTTATCCGGTAAGGGGAAACAGTCGGCGGCAGCCACGACGGAGGAGTTGCGGGTGGAAGAGACAG  
AGTGTTGAACGCGCTGCCTCTTCTTTGAAGTTCCGACGGTCATGTCCAAGCGAATCGCCGCGGGGATTTACAG  
AATCAAGGGTGCAAATGAAATGGAGAGAAAAGAGAAGATGAAGAATGGATTGTGAGAGGAAGAATTGAG  
ATGGTTCTAGATTTGGACCTCCATCGAAAAGCTTG

>trans\_c\_5532 NM\_001084418|Arabidopsis thaliana ALDH6B2; 3-chloroallyl aldehyde dehydrogenase/ methylmalonate-semialdehyde dehydrogenase (acylating)/ oxidoreductase (ALDH6B2) mRNA, complete cds

AGTGGAGCCAGACTACTGCTAGATGGGAGAAATATAGTGGTTCCTGGATACGAGCATGGAAATTTTATTGGC  
CCTACTATCTTAACAGATGTGACACCGGACATGGAGTGCTACAAGGAAGAAATATTTGGCCCAGTTCTGCTTT  
GCATGCAGGCTGAAAGTTTAGAAGACGCCATTAGCATCGTTAATGGAAATAGGTATGGCAATGGAGCTTCCA  
TATTCACCACATCTGGGATAGCCGCGAGGAAGTTTCAATCGGATATTGAAGCTGGACAGGTTGGGATCAACG  
TTCCAATTCCAGTTCCCTTGCCTTTCTTCTCGTTCACGGGCTCCAAGGCATCTTTTGCTGGGGATCTCAACTTTTA  
TGGGAAGGCAGGGGTGAACCTTCTCACACAGATAAAAACAGTGACACAACAATGGAAAGACTCAACTGGAG  
GGAGTGCAATCAATCTTGCAATGCCAACCTCTTTGAAGTCATAGGTCACACCCTCTTTCCTTTAACTTCTTGTA  
TACTCTCAATAAATCTTTATGCACCTATTTTTCAGTTCATATAAATAAAATTAATACTTTTCTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5533 EF690284|Citrus sinensis cysteine protease Cp mRNA, complete cds

GGAAACACTCTTTCACCTAGAGCAGCAGCTTGTGGATTGTGCAGGTGCTTTTAACAACCTTTGGCTGCAATGGT  
GGACTGCCTTCCCAAGCTTTTGAGTACATTAAGTACAATGGTGGCCTTGACACTGAAGCAGCATATCCTTACAC  
TGGAAAAGACGGCAAATGCAAATTCGTCTCTGAGAATGTTGGAGTACAAGTTATTGATTCTGTGAACATCACT  
CTTGGCGCTGAAGATGAATTGAAACATGCAGTTGCTTTTGTTCGACCTGTAAGCGTAGCATTTGAGGTGGTTA  
GCGGTTTTCGCTTGTATTCAAAAGGAGTTTACACCAGTAACTCATGCGGCAGTACCCCTATGGATGTAAACCAC  
GCTGTGCTTGCAGTTGGTTATGGTGTGCAAGATGGTATCCCATACTGGCTTATAAAGAATTCATGGGGAGGAA  
ACTGGGGTGACGATGGCTACTTCACTCGTTCTCGTTTACCTCCACGTGTGTTGTGGTACACTTGTGCTTCATAC  
CCCATTTGTTGCTTAGAGTACGAGAATGGCAAAGCTTCTTTAAGGTACGGTTATGGTGGATAGAATGATGTGCA  
AATTAAAGATACATATGTGG

>trans\_c\_5534 AY943856|Nicotiana benthamiana non-intrinsic ABC protein mRNA, partial cds

ACATCCAGGTGAAGAATCCACAGCTCGCATTGAACACGAAGCCAGTACCTCCAAGATTGGTGAAGATCAGTT  
GTTTTATTTTCAGCAGAGAGGAATAGACTATGAGAAGGCCATGGCTGCCATGATATCCGGATTCTGTCTGAC  
GTCTTCAACGAGCTACCTGATGAGTTTGGTGCCGAGGTGAACCAACTCATGAGCTTGAAACTTGAAGGATCTG  
TGGGTTAGGTTGAAACCAAGAAATATTTAAAGGTTAGATCATCTTGAGAAAGCTTAGATTATTTAGCATAAAT  
GGTCCCACAAGCCCTTCATCTTCTGCTTGGACTATATACTTCTGCCTCTAAAAATCACAAGCAGAATGTAAAT  
AGTTTTTGAGTGTTCAATCAACTTGTACTAGGTAGTTATTAGCTTCAGTTCGGTCTGGGAGACAGACTTGTTGT  
TCATATATAAAATTTTCACTTACTATTAATCTGTTTCATCTCTTAATATTGTTTACATCTTGATTGCTTTGACATCA  
ACTCCAAGGAATTTGACTTCTAAGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5535 NM\_103910|Arabidopsis thaliana NTMC2T5.1 (N-TERMINAL-TRANSMEMBRANE-C2 DOMAIN TYPE 5.1) (NTMC2T5.1) mRNA, complete cds

AAGCTTCAAAATGATGCCACCCTTTCTACTAGCTCAGGTACAACGAATTCGAGATCTCGTGATACAGCTACAGA  
CAACAAACCCACGGTTTCAAGTAACGGAGCTGGAGGTTTAGCCGATTGGGCGTTGTTTTGGCTCACTGTGATC  
ACAAGCATCTCTGTGCTGATTGCTATCAACATTGGTGGTTTCAGTTTCTTTAATCCATAATTTTACGGGGGGGA  
CTCTCGACAACCATAGCCATCAGTTATTTTGTATCATAGAGCAAGCAACCTTTGGCTGGCCTTGAGTTGAGTAT  
ATCGCTCACCCATATACGTATTGAATTGAACAATTAGAGTTCAGTCAACTTAACTCTTGTTAGGTTTGTGTATAA  
GTCGCTAATGGAGCAATATTCTGTTGGCGGCATGCCAATTTTGACTTTGTATTATAAGATTCTTACACGGAAAA

AAAAATCTTTGTACACCACCATATGTTTATGAAATGCAGTAGATTTTGAATTATTTTGTGAAACTTTTAGCTT  
TAGACCAGTTTAATATTTTCATTGTTATCTTGAATACTAATTAATTCTTTCCTCATCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5536 NM\_001069080|Oryza sativa Japonica Group Os08g0567000 (Os08g0567000)  
mRNA, complete cds

ATATTGGTTAGGACAACCCTTGCCTGGATCACAGGAATCATTCTTTTGATTGCTACTCTTATGGGGTCGTGCTG  
CCTTCTAAGGATGCCTCTCACGAGGGACACCCTCCTCTATTCTAATGTGAAATTGGACTAAGATCGAATGAAAC  
CGCCAACTACGTAGATGATGCCCCGAGATGATCTATGTCTACCATTGAAGCATTGAGGGCATGAGATTTGTGTA  
AGTGCCCTTTCAACAATGTTCTTGTCTACACTTTGGTGTAGAAAACTTTGGTATTATTAAGTGTAGCAATGGTAT  
GATGTGCTTCCTACAAGATAATGATGGCTATATAATTGGATCCACAACAAAATTTGGGGTTGTATAATAAAGTT  
ATTTTTGAAATGAGATTCGTTTATGTATATTATCATCAAAGCCACAACCTCATAGAGCTCGAAACACATCTTTAT  
TGGTGATGAAGTGGCAGTACATTAATTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5537 HM122626|Malus x domestica MYB domain class transcription factor (MYB34)  
mRNA, complete cds

ATATTACAACAAACATTACACGCTTGAGGGCTACGCCTCCTCTCCTTCTTCTCCTCTCTTTACTACTCTTCCCT  
CATTTTTAATGGCTACCACTGACCGTATTAAGGGTCCTTGGAGTCCCGATGAGGATGAGTTACTCGCCGTCTC  
GTCCATAACTACGGCCCTAGGAATTGGTCTCTTATTAGCAAGTCTATCTCTGGTCGATCTGATAAATCCTGTCTG  
TCTTAGGTGGTGTAAATCAGCTTTCCTGAAGTGGAGCACCGTCCCTTTACTCCTGATGAGGACGATACTATTA  
TCCAGGCCCACTCCAGATTTGGTAACAAGTGGGCCACCATTGCTCGTCTTCTTAATGGTCGCACCGACAACGCT  
ATCAAAAACCACTGGAACCTCTACTCTCAAGCGTAAATCTTCATCCTCTGCCCTGAAGATGACCATCCTCTTAA  
GAGATCCGCCAGTGTTGGTGCTCCCCCTTTGATTTTAATCCAGTAGTCCATCTGGGTCCGACTTGAGCGATT  
CTAGTCTCTCTGGAATGTCTTCTCCAGGTCTGTAAGACTTTCCGCCCCGTCCTCTGATTTCTCATTCAAATCA  
GCACCCCATG

>trans\_c\_5538 XM\_002882930|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L37, mRNA

TTTGGACAGTAGAGGAATCCAAAGGCTTCATCCTCCAATTCGATTAAATGGGTAAGGGAACGGGAAGTTTCG  
GTAAACGGAGGAACAAGACCCACACCCTCTGTGTTAGGTGTGGCCGTCGTAGCTTCCATCTCCAGAAGAGTCG  
ATGCTCCGCTTGTGCATTTCCAGCTGCCCGTAAGCGTACATATAACTGGAGCGTCAAGGCGATCCGAAGGAAG  
ACCACTGGAACCTGGGCGGATGAGATATTTGCGCCATGTTCTCTCGCAGATTCAAGAGTGGTTTCAGAGAAGGT  
ACTGAAGCAGCGCCAAGGAGCAAAGGAGCCTCATCATCAGCCTAAAGACATTGAAGGTTAATTGTGGCACAA  
CTTGGTACCTTATATAGGTTCTAGGAGGATTTTATCATTTTTGAGACTAGAGTTTATAAGAATTTGTTTGATGA  
TGTTATTGCCTTCAATACTGAAGCTTGTTTTATTTCTTACTCTTTCGTTTATTGAATTTCTGATCGCTGTTTTAG  
ACCACTGTCACCTTTGGTTAATCTATGCCTTGAGTTATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5539 AY106766|Zea mays PCO091412 mRNA sequence

ATGGTCGGCAGTTCTCGTAAATGGGCTTATACGCGGATCATCGCCGGCACCATTGTCGGCGGCGTTCTTGGCT  
TCTATGTAATGCACCGCGTTGAAGTTGGCTATAAGGAGAAGATGAAAGAGAGGTTAAACAATACGAGAACG  
AACTGAAGAAGAAAGAGAAAAATGAAAGAACTTGAAGACTCGCTATAGTGTGAGTGTCTGACACTTTTCCTATT  
TGGGTGTTCTGATTATACAGAGCCGAAGTTGAAGTTCGAGAGTTTTTGCATTGGCTTTAGAAATTGAGCTCAT

AAGAACACTCCAATCATTCCATATCAATTAGGGCGCTGGAGTATAGAACTGGATTTGGGAATAAAGTAATGTG  
GGCTGAAAAGAAAAGAACTGGGTTGCAATTTTGTCTCTTTCTACAATTTATCACTGATTAACAGCATGTGT  
GTTTTGTTGTGTGATTGGTTTATGATTTATTCCTTGATTAATGGCAAGCCCTTTAAGTTAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCACTATGATTAGGACGAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5540 NM\_179439|Arabidopsis thaliana ALDH3H1 (ALDEHYDE DEHYDROGENASE 3H1); 3-  
chloroallyl aldehyde dehydrogenase/ aldehyde dehydrogenase (NAD) (ALDH3H1) mRNA, complete  
cds

TCCCTTGCTTCCCATATCACGGTAGACAAGTTGGAGGATAGCTTCGAAATAGTGAATTCAGGCACAAAGCCG  
CTAGACAGCATATTAACCTTTCCAACAACAAAAAGCTCAAGGAACAGTTTGTGGATTGTATCTCTGCAGGAGGT  
GAGGCTATCAACGACACCACCATACATCTAGCAGTTACCACACTACCATTGGAGGAGTGGGAGACAGTGGA  
ATGGGAGCTTACCATGGGAAGTTTTCATTTGATGCATTTAGCCATAAGAAGGCTGTTCTTTATCGAAGTTTCGT  
GGGTGACGTGCCAATGCGATACCCGCCCTACACCGACGGAAGCTAAGATTTCTAAAGCTCTTCTTGAGGT  
GGCATCTTGAACTCATTCATGCTCTTCTTGTTGGTCGTAAGCGTAAGCATCTTCTAACACTCTTCTGTTTAC  
ATTTGTCTTCTCGCTTGTATGTGCTGCTTGTGAACCTGTGTTTTCTCTCTTCAATTTCAAAGTTGTGCCGTA  
TTAATGAATCAATAGTGTTAATTTTTAACTTTACAACCTACTAAGAGAATTTAGAAGTATATTCAATAATAATA  
ATAATAATAAAATC

>trans\_c\_5541 EU815934|Cucumis sativus cultivar Lufeng 6-phosphogluconate dehydrogenase  
mRNA, partial cds

ATCAGCACGCCGGGGATGTGCGCTAGCCTTGCCTATTTTGACACGTACAGGCGTGCTAGGCTGCCTGCCAATC  
TTGTGCAGGCGCAAAGAGACTTATTTGGGGCTCATACATATGAGCGAGTGGATCGCCAAGGCTCCTACCACAC  
AGAGTGGACAAAGCTGGCTCGCAATGCTGATGCTGGAGTTGGCATTTTCAACTGAGCTTTTGAGCTGCCTGCC  
AATTTGGTCGGTTTTCTTCTCTGCTTCAATTGGGTGCAAATTCCTACTTGATTTTGCTTGCCCATTTCAAAAGT  
TTGTAGGTTTTCTTTTTGTATCACAGTTTGGACAGTCTTCCATGCTTCTTAGGGGAGTAGGTAGCAGATAATTT  
TACTGGCCTTGAGTATTTGCTATGAATAATAATTAATAAGGAAAAAAAAAAAAACAAGAAAGAAGCAACAGCT  
GCAGGATGGCCATTGAGTTCTATCGTGTAAGTTCTTTTTCACATCTCCTTGATGTTCAAAATGAAAAATTTCCCT  
TTTGTAAATCTCGTGTCTTTGAAATTGTGGAATGAAATATTCTACCATTGATGACAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5542 AF302013|Medicago sativa subsp. x varia CDK-activating kinase (cak) mRNA,  
complete cds

ACCTCACGCTTTAAATATCTACCAGCCACTTTCTTTGATGGATCGAGGTCAGCCATTGGTGCATCAAAAATACT  
ACTTCTTGAAAACGTGTAGTGTTAGGTCCGGTATCGTTCTCATGCCAGATACATAGGTTTCAGAGAAAAGGATT  
GTGAAAGGCACCATTTGTTGAAGGGAAGTCAGAGGAAATTAGGGTTTGGAGATGGTGAGTGTGCAGTTCAGT  
TCGTAAGCTTAAAGAAAGCCGTTGAAGATAGAGAGAAAGACGAGAGAGCGTAGAAAAGCAGCCACTTTCCG  
CCGCTCCAAGGATGTTTTCTTATTCTTTCTTTTTTCTCGCCAATGGGCAAATCGATTCCATAGCGTCGCATCC  
TCGTTTGAATTGAATAAATGTTGGGCCGTTGCACACGCGGCCCAATTCGTTATTATTTGAGAATAAAAAATGCT  
TTCCTTTTTATATATTTTTTCCGACCAAATCTTTTTTGTCTTTAGATTTCAAATGTTATATATTTAGTCGGGA  
AGTTTGGTATGAATGTCCTTGGTGGAAGTATTATAAATGATAATTCGTTTTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5543 Novel Gene

ATCCCCACAAAATATCTCCCAACCTCCATTTTCTTCTATACTCGCGGCCCATTTCCATGGCAGCCCTCTCCGCC  
GGCCACCGCCATTTCTTCTACAGCCTAAGCGGCAGCGCCATCGTGCAGTTTAGAAACAGAAGCATCAGCCCCA  
GATCGATCGCCGTCCTCTGCCTTCATAACCAAGATCCTTCAGATCCTACAGATTGTTCTGATGAAAAAACGAAG  
AAGAAAAGCCAAGAAAGAAAAGAGATGGTTCATGGGTTTGTCCAAAGATTGAGAAGATGGGAATTCAATTG  
AAGGAGAAATTGAGTCCACAGAGAAAAGGGGATTGGAAGGATTTGACATTGATGAGCCTTTCATTTGCTGTT  
TATGTATATATATCTCAGAAGATTGTTTGTGCTTATTTTCTTTGGATGTCAATGCCTAAACCACTGTGGTAGAAG  
ATCATGTATTTCAAAGAATCTCTCTCTGTTGTTCTATATTTGGAGATTGAAATTTGTGTAATTCCAATGTAATTT  
GATTTCTTATTTGTTGAATATATAGATGCAATCAAATCGTAATTGTAGAAGTTCTTCTGAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5544 NM\_118689|Arabidopsis thaliana ACYB-2; carbon-monoxide oxygenase (ACYB-2)  
mRNA, complete cds

AGGAAGGCGGAGAGAGATAAGGGATGGCGTTGGCGGTGAAGGCTTTTCCGTTAACAGTGGTGAGTCATGTG  
GTGGGAATCGTGGCGGTGATACTGGTGTGGTTTGGACCATTTCATTTAGGGGCGGCCTTGCTTGGGAAGCT  
GTTAATAAGAACCTCATCTTCAACATTCATCCTTTTCTTATGCTACTGGGATTGATCGTCATAGGAGGTGAAGC  
AATAATTAGTTACAAATCACTGCCATTAAGGAAAGAAGTGAAGAAAGTGATTTCATTTGGTATTACACGGAGTC  
GCATTGGTACTTGGTATTGTAGGGATAATCGCAGCATTCAAAAACCATAATGAAAGTGGAATTGCTAATCTTT  
ACAGCTTGCAATTCTTGGATTGGAATTGGGGTTATTAGCCTTTATGCTCTTCAGTGGGTGTACGGGTTTGTTACA  
TTCTTCTACCCGGGAGGATCGGCGGATCTTGAAGAGTATCACTCCCTTGGCACGTCGTATTTGGGCTCACCGT  
TTACATATTGGCCGTTGGGAACTCGGCCTTGGGTTTCTTGAGAAGCTCACATTTCTGGAGAGCTCCGGCATCC  
CCAAGTACGGGACGGAGGC

>trans\_c\_5545 AF492633|Capsicum annuum upa9 mRNA, complete cds

GCCCCACTACTCTCCTCTCCTTCTTCAAACCATTTGGATTTTGATCAGTGCTTCCACACAAATCCCCTCCTTTTG  
GAGAAGGAGAATTCGACCATCCATCAATGGCGTCTTCCAATCCTACTACTAGGGCTTCAAAGCTCTCTTCACC  
ATCTTCTCTCATCTTCTTCATTCTTTCTCCACTCGTTGACGCCGCAGCACCTGCTCCCGCTCCCGCTCCCGCTC  
CTTCTAGCGACGGGACCTCCATTGATCAGGGGATTGCGTACGTTTGTGCTAGTGGCGTTGGTTCTCACGTA  
TCTAATTCACCCTCTCGATGCATCTTCTTACAATTTTTTCTGAATTGAATTGAATTCTTCTCCTAGGATTGTA  
GCAATGTAGGCGTTGTTTGTGGACGTTTGAGAAGGAACGAGACCCATTTTTTCTTCTCTTTTTTGTGATAAAA  
TCAAAGTGTATATTTGGGTCCACAGATTTTGATCAATTGCTCCATTTAATTCATTGTTTATTCGGTTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_5546 AY039525|Arabidopsis thaliana AT3g57280/F2809\_130 mRNA, complete cds

ACTTCATACCCTTTTCTTCTTCTATCCTTATTCCGATCTAACATGGCGGCGACAGCGTCTCAATTTTCGTGTTTGT  
GCGCCATCAACCGTGGCTTTCGCCTGCAACACCGCCGACCATTCTTAGCTTCTCGTCCTTCTTTCTTCCCTA  
AGTTTTCGATTGTTATGAGCGTTGAAGGATCTGGTTTGAATGCAGCTGATTCCCAGACTAAAACAACCTTAAGC  
TATGCCACTGATGTATCAGAATCTCAAGTTGCCACAACTCATATCCGGATGTTGAAAAGTCGCCCGATGTTG  
GAAATTTAGAGAATGAGAAGCTGCAGGAGCCTGGTGGTGTGGTGCTGTGCCAAAACGAACAGCAAAAATTC  
ACGATTTCTGTTTTGGCATTCTTTTGGTGAATTGTTCTAAGTGGAGGCAGGGGAAGTCCAGTTTTCCATTCA  
TTCTAGGACAAGCAGTATTTACGGCCTCGTTTTTCTGGAATAGTTATCAGACGTACTTATTGACCAAAAACGTG  
TTTCCAACAGCCATTTATGCTGCCCTCAGTGCTGCAATGCTATGCTTCTACTTATATGTCGTAATTTCTGGAGGA  
ACCCACCGCCG

>trans\_c\_5547 DQ021448|Nicotiana alata thioredoxin H (Trxh) mRNA, complete cds

ACTGTTTCCGATTCTATTGGTGATCTGATTTTTCTTCTCTCTCCCTCTTTTGTGGACTGTGGGTGAGAGTAG  
ATGGTGATTGATTCTCCGCAACTTGGTGTGGACCCTGTAGGCTCATGGAGCCAGCCTTCAACGCCATGGCTA  
GCAAATACACCGATGTTGAGTTTGCTAAAATCGATGTCGACGAGTTAGCTGATGTGGCTCAGCATTTTGGAGT  
ACAAGCAATGCCAACATTTGTGTTCTGAAGAGAGGAAAAGTGGTGGATACAGTGGTTGGAGCCCGTAAGGA  
AGAGCTGGAGAAGAAGATTGAGAAGCACCGATCGGTATCTGGTTCAACTTAGATCCAAAAACCCCAATAAT  
AAGTTCTCTACTCTCATTCTTACTCTTCTTCATCTTTTATGTAAACATTTGAAAATTATCTATATCCTAACTTGG  
TCACGATTTGAATTTAAATATGTTATATAAACTCCAACCTTGTCTTGTGTTGAAATCAATCTAACTGTCTTCTCCC  
TTCTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTGGTGAAATGATTTTTTTTGTGTACAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5548 NM\_001084222|Arabidopsis thaliana aspartyl protease family protein (AT1G49050)  
mRNA, complete cds

AGTGTTTGATAGTGGCAGTTCATACACGTACTTCACAAAAGAAGCATATTCCCAATTGGTTGCAAATCTTGAAG  
AAGTGTGCGCGTTTGGGCTTATTATTCAAGATTCATTAGATACCATTGTGTTGGAAAACCTGAACAATCTATCAGA  
TCTGTTAAAGACATCAAGCATTTCTTCAAGCCTCTAACGCTTCAGTTCGGGAGCAGATTTTGGCTTGTGTCCAC  
GAAGCTTGTGATTCTTCCAGAGAATTATTTATTGATCAGTAAAGAAGGAAATGTATGCTTGGGAATTCTCGAT  
GGAAGCCAGGTACATGATGGGTCCACAATCATTCTTGGAGACAATGCATTGCGTGGGAAATTGGTCGTATAT  
GACAACGTGAATCAGAGAATTGGATGGACTTCATCCGACTGTCACAATCCAAGAAAAATTAAACACCTCCCAC  
TATTTTGATACACTGTCAGTCTAAAGATAAACTAGTTAGTAATTATTACGTGGCATGCCTTGATTGTTCTCTCTA  
TAAATACAAATAGCTTATTTGTGAATAAAATAATAAAAGTGTAAAGCACTGGACTTCAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5549 AY112180|Zea mays CL40542\_1 mRNA sequence

TGGAGAAACCACTAAGGGATCAGGCTTTTGCCACTCCAGATAAGGTGGCTGAATTAGTTCAAAAGGTTAATAC  
TGCTATCCAGCAACAGTTGCCTATGGTTATGGAAAAAATGAACTCTATCTGCAAACTCTACCACAAGGATG  
ATCCTCTTCAATCCTATAAAAGTGAACATTGTGGAAGCTCATCTACAAGTTCAAATCTGATAAAGGCAGATTA  
CTCTTCTGAAGCAATCAATATGACTCCCATTTCATATTTGCAAACCTCAACTTGATAATCTTCTGTAGATTGCTGG  
CCTAGTTTTATTCTATTTCCAACAGTAGCATCCATTTTCAAAATGTTTTATTCTTTGCAAGAATGTGTAGTTTTT  
TGTTTGTAATTCAATGTCTAGCCTTCATGCACTTGTTGCCTTCTTTTTTGAACATTGCTTGAAAGTCAAATG  
CCATTTTCTCATTATTTTCAAGAAATACTTAATTTCAAATGTTTACTCGAGTATAACTGATTATTTACCCTTCACA  
GTTTGCTCATTATTGAACTCTTTCATAAGCTTAGCCCGTACTTAACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5550 Novel Gene

ACTCTCTTCTTCTGCGGTCGTGAGCTTTTTTCGTTGGCTTTCAGGATTTCCCTCCCTTCTTCGCCGACTACTTT  
CCAGTTTTTTCCAAGATGGTTCTTCAAACGATATTGATTTACTGAATCCTCCTGCTGAGTTAGAGAAGAGGAA  
GCACAAGCTCAAGCGTCTTGTGCAATACCCAACTCCTTCTTCATGGACGTCAAGTGCCAAGGATGCTTCAACA  
TTACCACTGTCTTCAGCCACTCTCAAACGTTGTGGTATGCGGTAAGTCCAGACAGTCCTATGCCAGCCAACG  
GGAGGACGTGCTAGACTCACCGAGGGGTGTTCTTTCAGGAGAAAGGTGATTGATGATGCGGTTCTTTGTTT  
CATTTTGCTGGGAAGAAATTGCAAGTCTCTGTTTTGATCGATGGGTATATTTATTTTCTTGTACGGTATCAGAC  
TTGATTATGCTGTCTCTCTAAATAGATTATATTTGGCTTTAGAGTTATCTGGTTTTGTTTAAAGATGAATTC



GTGTACTGAACTTTTAGCTGCATTTAGTAAAAGCTTAACTTTCTTTTATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_5551 Novel Gene

ATTCCCCTTCGTGTCGATCTTCATATCTCCCTCACCTCACCGCTTCCAACCTCTGTTCCCTCAACGTCGATCTCCCC  
ACGGCAGCTCTAGCATTCTTCTCCGTCCACCTCTCTCCGTCTCTTCGACTACCTTAGGGTCGTTCTCTGTCTTCT  
TTAAATCTTTGATCAGTGGCAAGAAGTCTAAATTCCTAAGGCAAGGCTTCACTCTTCTTAACTCTGCTACTTCT  
TCGATCGGTTGCAAAATGAGAACCGCTCAGGTTGCTTTGCGAACTCTTGGCGGTGGCTTATCACGAGGATTAA  
AGCAACCTTCTGTGCTCAGAAACCTTTCACAAACGCCGCTCGTGGTAGTGGGTTTGACGATGATAACAAGGG  
AAACCTGATTGCTTTGAGACTGCTGATGACTTCGAACGTCGGATTTTTGGGGGTGTTTCTATGGCGGGTTCC  
GGAAATGATGCTTTCTTTGAAAAGTTTGATAGAATTGGCAAGCCTCGTGAAAGAATAGGTTCAAACTGAGTG  
GAGGAAACAATTTCAAGCGTTGCGTGATCTGAAGATAATTTTGACACTCTGTCAGATGGGATGGATGGCAA  
GTTGAAGAAAG

>trans\_c\_5552 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AGCGCCCCTGATAATTGCGTCGTTGTGCCTGGGCTGTGAGGGCTCTCAGCCACATGGATAGTTCAATGTGCTC  
ATCAGCGCCTGACCCTGAGATGTGGATCATCCAAGGCACATTAGCATGGCGTACTTCTCTGTTTGAACCGGG  
GTTTGAAACCAAACCTTCTCCTCAGGAGGATAGATGGGGCGATTACAGGTGAGATCCAATGTAGATCCAACCTTC  
TATCACTCGTGGGATCCGGGCGGTCCGGGGGGGACCACCTCGGCTCCTCTCTTCTCGAGAATCCATACATCC  
CTTATCAGTATATGGACAGCTATCTCTCGAGCACAGGTTTAGGTTCCGGCCTCAATGGGAAAATAAAACGGAGC  
ACCTAACACGTATCTTCACAGACCAAGAACTACGAGATCGCCCTTTCATTCTGGGGTGACGGAGGGATCGT  
ACCATTCGAGCCTTTTTTCTGCATCCCCCGGAGGTCTGGAGAAAGCTGCAATCACGCTTCGGGGAGGCCG  
AAGAAAGGAAATCCCTATCCCTTCCTCCATGTCCCGAGAAAAAGGGCTAACCATCTTAGGAAACGTCTGCTGA  
ATTTATGCGCTGTCCCATG

>trans\_c\_5553 XM\_002864646|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

TCGTCGTTCTCTTCGCACATATCTTTTACTCCGTGGTTGGCATCCAAGCAGTTCTATCTATTCTTCTTGCAACTTT  
TACGGGGTTTGGTGTCTGTGATGAGCGGTAATTCGATCCTAGTTGAGTTCATCCGATGGAGAAGAAGATGGCA  
AGCTTCGTTGGAGCAACATCAAACACAGATGATCACACGACCAGGCCAATTCCTAGAACATCAAGTGATAA  
CAAGAAAACCATTCATTTGAGATTAATATCGACACCGAACCAATAGATACTACAAAAGCAATAGCATAAGTT  
CAAATTGTTACTTAGTAATATACGCGATTTCACTCGCTCAAAATCGGTCATGACGAACGTGTGTAATGAGAA  
ATTCGTGTTTGTGTTTACTTGAAGTGTTCAGTCAATGAAGGATTGACTTCATAGACTTCTTTTGTTCCTT  
TTCATGGTATTTTGTAGAACAAAGTTGCATTGTTTTTGTTCCTCTCTTTTCTTTTTCAGTGGTGGATGAGA  
GTGCTGTAAAAGTATTTGTGAAAGTTTATGTTAATGTAGATTGTATTACTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_5554 XM\_002871968|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1211, mRNA

AAGCCGAACAAGCCAACAAATTCACCATTTTCTACTGCTTCACTACATTTTGCTTCTAGGACTCCTGTTTCAGGG  
GTTCCGTCCAGACTGATTCAATCCATTTTCCCTGGACCAAGGGCAGATCATCATTGAAGGCATCGCCTTCCTC  
ATGTGCTAGCCGTGACTACTACTCAGAATCACTCCGTTCACTGTTTCCAAGGATGCCGAGCTCGAAGGGA  
AGCTTGAAGGCCGTTGTACCATTCGAATGGCAGAACAAATCCAGCATCCTCCACCCAAGTCGGAAGAAATTGC  
AGCTGCGTCCCAGAGCTGAATCTCATTATCATTCATTGTTTCGACAAATTCGGACAAGTTTACACCATGCGAC

GATCAGTTCAACGAAACAGGAGGGATCAGACACAGCATATTGTCTTGGCACACACCATTAGATGTTTTGGAAT  
CATATGCAGATACTACCAAAAGATAACCATTTGTAAACTTATTCACTTGATTTTAGAAAGCAATTTTGCAAGA  
GCTACTTTGTACCAATTGTATTTCAATAATGTACATCACATGCTGATGAAATCGGTTTTAGTCGAATAAACTTC  
TTTTTAACCTT

>trans\_c\_5555 NM\_001055999|Oryza sativa Japonica Group Os03g0231900 (Os03g0231900)  
mRNA, complete cds

AATGCGAATTTATGTAAATGTAAATTCTAAACTCTTTCATCCTCCAGAAGAACAACAAAATCACCTGAGCCC  
GTAAGGCGTAAACTACTCTTCTTCTTCAACAGCTAACTATGTCCTTACCTGCCGTTCTTTCACCGCCGTCCC  
TTTTTCCATTCTCAATCTCAACCGCCATTTCCAACCTCTCGAACCTCGCTTCTTCCCATCCCTTCCAAATTTCT  
TATACGCTCCTCCGGGCTACCAGAAGAACCTCCAATTTCTCTCAGGGAGTTGATAATTTGTGGACGAGCGGC  
GTAATTGGAACCGCTCCGACTTCGACTTAATCGGTGGAGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAAGA  
TGACGATGAGGAAGAGGATAGAAGTTTGATCTTTTGGTTCGTTTTGATGAGAATGTTTTAGGAAATCCTCG  
AGGCGAGCTCGGAAGGCTGTGAGATCGGTTCTTCTCAATCCATCCCTACTAACTGGTGGCATTCTTGATAA  
TGGGGTGCTAATGCTGGCGTTTTTGTGGGTTTTGAAAGCATTTCTTGATGTGATATGCACACTTGAACTGCA  
GTGATTGTGAAC

>trans\_c\_5556 EU714080|Thellungiella halophila ST225 mRNA, complete cds

GTTTGGTTTTTGAGTGATGGGTCTTTAATGGCTGGTTGGGATTCCCCTACTACCGATCCCCAAGAAGTGAGTC  
ATCGGAGGAATAAGTCATTGACGAAAGAGGAAATTGAAGCGTTTTGGAAAACGAAGAAACAAGTGCATGAA  
GAACATCTGAGAGCAATTTTAAGTCCATTTGAGACATTGGAGGAAAAAGAAAAGGAAAATGTTGGAAATAAT  
CTACAGAGATCAGCCTCTATGCCTCCATTCAATACAAGGAAGGGTTTACTGGAGAATGTGAAATCTGAAACCA  
ACTTAGAAAAAGCCCGAGAAAAATCCCTGGTGGAGAAGAAGTAACTGGGCGTTTCTAAACGAACCAACCGGAGA  
CAGAAGGGTCGGGTAACAGCTACGTGTGCGAGTTCCACGTTGCAAACATGGCGGCTTCCAGACTTGGCCGTG  
GTGGCGTCAGTGCTTAAGCAGCAATGTTAATTCGTTCTTTTTTAATCTTTTGTGCGTTGGTGACGGAGTCG  
GAGTGGGTGTGGATGTGATCGGAAAGAAAAAACAATAAAGATTATGTTGTAAATTAATTGGATTGA  
AGGGTGTGTGTATGAGTGTG

>trans\_c\_5557 BT015472|Arabidopsis thaliana At2g31670 mRNA sequence

AAACTCAAGGAGAATCTGGGCGACGAAGTCAAGGGCCAGATCTTGAGGTCATCGCAGGGATGAGGGAGAA  
ATTGGGGCCCAATGTCCAGCTGACGGTGGGCGACAACTTTTCCCGGCCAGAGCCAAGGGTTTCTCAATCGCT  
TCGATTGCCATTTTCCAGGGCCAAATGAGTTGGAGGCGGCGGCTTCAGACAAAGAAATGGTGGAAATTGCAG  
AAAGAGAAGGTCAGGGAACATTTGGAGAGTGTAATTGTGGTGGACTACGTGGTTCCGCCGCCGAAAACGGC  
AAGTCTCTAAACCCATCTACGATCGTCGCTACAAAGTTCCTGGTGAACAATGTCTGTGGCCAAGTGTGAAATA  
GAATAAAAGCGTCCTCCATTGATGTATGAATGGCAGACGCACTTTTGAATTTTAGCATTTTAATGTTTTTGGG  
TTTCTTCTGTCTGTTGCATTTAACTTGAAAATTTAGTAAAATCTAATGTTCCATCATTGAAAAAGAAGAA  
GAGTAACGGATAAATACAAGCAATTATCAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5558 AJ007792|Arabidopsis thaliana msh6-2 gene, exon 1 to 17

AATCAACGTCGAAACCAAATCATCCATATCCAATTGTCTTGATTCTCTTTATCCATTCTCAAATTCTCAACAACA  
ATGCCGAGCCGATTCCCGGAGCCCTATCTCAAGATTGGGAGCCAGTAGTTCTCCACAAGGCAAGGCCAAAA  
GCTCAGGCCCTTCGTGATCCGAAGGCAGTAAACCAAGCGATACGATCCGGCGCACCGGTTTCCAGACAGTGAAG  
AAATTGACGCCGACTTGAACAAGAAAGTCGCAGCGGCCAGTGAACGCAAGGAAGCTGGACGAAGGGAC

CGAACCGGCAGCGCTGGACCGGGTGGGGGTTGAGGTGAGACAGGCGATTGAGAAGGCTCGAGTGGAGAAG  
AAGATGAGCCAAGCAGAACTGGCGAAACAGATTAACGAGCGGACTCAGGTTGTGCAGGAATATGAAAATGG  
GAAGGCGGTGCCGAATCAGGCGGTTTTGGCAAAGATGGAGAAGGTTTTGGGCGTGAAGCTTCGAGGGAGAT  
CGGGGAAATGAGATTTTGGGACCAAAGCGTTTTCTCATGTTGTGGTTAATGAAGGATTTTGGTGGTTGTTT  
ATTGGATGTGTGAATATTGTGGGAA

>trans\_c\_5559 EU041721|*Pisum sativum* ribosomal protein L30e mRNA, complete cds

TTCATTTGGCGAGTGCAGCTTCGAGTCTTCAATCATGGTGGCCGCTAAGAAGACCAAGAAGACCCATGAAAGC  
ATCAACAACAGACTCGCTCTCGTCATGAAGAGTGGGAAATACACCTTGGGATACAAAACCGTCCTCAAAACCT  
TGAGGAACTCTAAAGGTAAGCTGATCATCATTGCCAACAACTGCCCTCCACTCCGAAAGTCCGAGATCGAATA  
CTATGCAATGTTGGCCAAGGTTGGAGTTCACCATTACAATGGGAGCAATGTTGACCTTGAACCGCATGTGGC  
AAATACTACAGAGTATGCTGCCTCAGCATTATCGACCCTGGTGATTTCGGATATTATCAAGAGCATGCCCCGAA  
GTTAGATTTCAACTTCGTTTTAAGATCATAGAATTTTGTTCAGAGTTTCTTCTGATTTTGGGTTCAATGTAGT  
GATGTGTTTTGCTTGTGAGGCATGATATTATTGAACAAATGGTTTCATTATAAACCCTTTTTTTATTGTTCAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCCAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5560 NM\_001058585|*Oryza sativa* Japonica Group Os04g0117100 (Os04g0117100)  
mRNA, complete cds

AAGCTTCAAATTCCTAGGGCTCCTCTCTTCTTCAAATCGGCTTCTACTTCTAACATAATTTTCATTCTTTCTTCTC  
TCTATTTTCCTTTGCAAAATCCTTTGATGGCACTTCCTCCAGGCCCTATTCTGGAAGTAGCACCTCGCTTTGG  
TTGCTCGTGCTTCGGCGTTCTCTGTTGGGCTTGTCTACGGAAGCCTCAAGCTCAAGTACCTTCAGGCGAAGGC  
AAAATCTCACAAGAAAGCTGAAGCAAAGGCTCATCACTGAGGTATGGCTAATTCGGTCCGTGTCAAAAACGA  
GGCACTGGTTGAATTCGAAGGGAAATAATACATCGTAGTTGATCAAAATTTATTTTCTTTGATACTTTTTTTT  
CCATGTTGCATTGGATGGCTTTATATTTCAATTAAGAGTCATATAGATGTATCTTACATCGGTCTTAAGGACTAT  
ATTTGAGCTACAATTAGTTTTGATGGATTGATGAGAGGACAAACAGATCACGATTCCTTTCTTTGATTGGAAAT  
GAATAATTTGCTTGTCTGTCTTGGTGCAGGTGTTGAGTTAATTCATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5561 AF369569|*Arabidopsis thaliana* membrane protein Mlo8 mRNA, complete cds

TTGTTTGGGTTTGTGTTTTGAAGCTGAGAAATGTTTCTGGTTGTTTATTATTTGTGTTTGAGTTTGTGTGGGG  
GAAATCGTGGGGAGCTCCGGCCAGCGATGGCACCACGAGGGAGCTCGATCAGACTCCGACGTGGGCTGTTG  
CTGGTGTGTTGTGCTATTATCATCCTTATTTCTATCGCCTTGGAGAACTCCTTCATAAAGCTGGAACGTGGCTCA  
CGGAAAAGCACAAAGAGAGCTCTTTGAAGCTCTGGAGAAAGTTAAAGCTGAGCTGATGATTCTGGGTTTCAT  
TTCTCTACTCCTCACCTTTGGACAGAACTACATCATTAAAATCTGCATTCCCACGAAGGTTGCAAATACTATGTT  
GCCATGTGCTGCCAAAGAGGACAAATTGGAGAAGGCAGATGAGGGCGAACATCATCGACGACTACTAATGTA  
TGAACGGAGGTTCTGGCTGCTGCTGGTGGCGCTGTTAGTTGCAAAGAAGGTCATGTGCCGCTTATATCTATC  
TCGGGATTGCATCAGATAAATATTTTGGTTTGGCAAGCCTCAGCTGGTTCTTTACCTCATCCACTTCGCTTTAT  
TTTCAATGCATT

>trans\_c\_5562 Novel Gene

ATCCACATCCCATCTTCAAATACTTTTCATTGTTCCCTATTTGCAAAGAAAAACGAATTCGAAGCCTTTCATCCTC  
CTCGGTCTTCTGTTGCCATCGTCGTCTTTGTTCAATGGATGTAAACACGGTTACGGCTAGGGATGTAAATTT  
CAAAGAAGCTATTATGGAACTGATGAACTTGATGACGATGTCAACCGCCATGGTGGCTTAGGAGGACACGC

TAGAATCCTCCAACAATGCCTCCATGGTTGCAACACCGGTTGTTGTAGCTGCGTCCGCGGTCGTTGCGTCCGG  
TGCTGCTAGATTGGCTGGTGAGACCGTGGTTGATATAGAAACCTCAAGATAGACGTGTTTTGTTGCTTCAAAT  
AATGGCTTTGATTTCTCAAGTTGATATGTATAAAATATATGTTTACAGTTTAATGTTTTAAGTAATGAATAAAT  
GCTTTCTTAAATAGGAAAAAGAATTAGGTGATGAACAAATGCATATGCTTGAAATTGATGGTGTGTTTAGAA  
CTTCTAAGTAAAATTGAGTTGAGATATAAATTTTAAGTAAATTTAAATATTGCTACAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5563 XM\_002331026|Populus trichocarpa vacuolar H<sup>+</sup>-translocating inorganic  
pyrophosphatase, mRNA

AAGTACATCGAGGCTGGTACCTCTGAGCACGCAAGAACCCTTGGCCCGAAAGGATCAGATCCACACAAAGCT  
GCTGTTATCGGGGACACAATCGGAGACCCACTCAAGGATACATCTGGACCTTCTCTCAACATTCTCATCAAGTT  
GATGGCTGTGGAGTCACTCGTGTTTGCTCCTTTCTTGCCAGCCACGGTGGTATTCTGTTCAAGATCTTCTAAG  
AATGAAAGAGGAATGAATCTTTGTGCCATTACATCATCTCTCCTCCTCCATTGACATAACCTCTCCCCTCTAC  
GAAATTTTCAATGCTTTTTTTAGACTTCATATTATTATATGTTCAAGTCTGTAGCTTTGATTCCCTTTTGAGAAAC  
TTGTAGTTTCAAGTGGCAGAGCCTTTTACCCTTTTCATCGGTTGTGATGATGATGATGAAGAAGAAGAAAGATA  
AGAAGATAAATCGGTCAAATCTTGTAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGTGAAGT  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5564 XM\_002873869|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L33 family  
protein, mRNA

TTCCACTAATTCCCTCCGTCTACCCTTGCCGCCGATCAGCTGCGCTGCCTTCACGCCGTGCGCGCCGGAAATGG  
GTGACAAGAAAAAGAAAGCTACCATGTTTCATCCGACTTGATCAGCTGCGGGGACTGGATTCTTTTATGTTAA  
AAGAAAGCCAACCAAATTACAGAGAAGCTCGAGTTCCGAAAATACGATCCTCGGGTCAATCGACATGTTTTG  
TTTACGGAAGCTAAATGAAATGAAAGAAGAGAGGAATAAAAATCAATTATCCTTTCAACCTGGACCTATTCT  
TCTTTTGGTCCATAGGTTTTGGAGCTTTGCAATTAGTCTTTTTTCTCTCCATTTTAGACTGATGTCATATTTGCT  
AGTTTTTTTCCCATGACTCATCTTCAGCCTTTGTGGAACAGTATTTTGTACATCAACTTCTATGGCCACGAATT  
GTTTGCCTCTTGATTTCTTGTTGTTGAGATAAATTATAAGATATAAATTGAGTTACTAAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5565 EU024941|Avicennia marina peroxisomal ascorbate peroxidase (pAPX1) mRNA,  
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAATCTCAACTGAAGCTTTGTATACA  
ATAAGTTAGAAATTATCTGAAATAAATCATCAGATATGAGGTGACCATCTGAAATGGGTAACAAGAAAGTTGCG  
CAAGGAATTAAACATATAAAGCAAGACATAAATTTTTATGTTATGATAATAGTGTCTTGACAGAGTGATTGTGT  
TTATAAAGCTAATACATAGAATCAGTATATAAAGTATCAAATCACAAGTGCACAACCTTTCCAGGTCTAGAAATG  
AACTCAATAGTGAATGCTATATAGACAACCTAGTCGACCTTGCTACCGTAATTACTTCGATTTTTGCGGACTTCA  
TATAAGTAGCTCAAAATTACCACAGCAGCTGCAACCGCAACTCCAACGGCACCCCTGTGCTAATACAAGGCTGT  
CTTTCACAATCGCCTTAGCAGAACCTGGAGTGAACCAAGCTCCGAAAGTTTCTTGTTGATTGAGCATAATCT  
TTGAAGAATGCATCTTCATCTTTGCATACAATTCCACGTATTGGCGGAACCTCAGGATCTTCAAGTAAAGCCTT  
GT

>trans\_c\_5566 NM\_120886|Arabidopsis thaliana TOM5 (MITOCHONDRIAL IMPORT RECEPTOR SUBUNIT TOM5 HOMOLOG) (TOM5) mRNA, complete cds

GCTCGCAATACGCCTTCGCTCTCTGTACTCCGCGCGAAAATGGCCGACGATTCCAGCTCGGTGAAGAAGGTGA  
AGAATCTTCTCTTTTCCGGTACGGCGAATTCCGTCGAGACTGTGAAATCCTTTTCAATTCTCAGGTTTATGACG  
AAGAAAAGTGGGCCTTGAACATGAAATTGCTTCGTGCCGCTGGGATGTTTGCAGGATCCATTCTTCTCATGCG  
GAATTACGGAGATCTGATGACAATATGAGAGTTTGCAGAGGGCAGCAATTCTTAGCGCATTACGTTTCTCTA  
CTTCTTAGTTTGTTACAGCTTTATTCAATTTGAAATAGGAAGTTTCGATTTTTTGCCTCTTGGTCAAACGATG  
AGAATGTGTTCTCTTTTCCCTTTGTAGTAGACCAATCTTTTAAATGCACTCTTTTTCACCTAAACAGACTACAA  
AATTAATAAAAAATGAAATCCAAAACACTTGATTAGACCTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCGGCCCTCAAAAACCTTATCAAACC  
CGCCAACCCCA

>trans\_c\_5567 AJ012654|Prunus persica mRNA for ribosomal protein S28 (rps28.2)

AAGCATGCTGTTGTGGTCAAAGTAATGGGTAGAACTGGATCAAGAGGGCAAGTGACTCAAGTGAGAGTTAA  
GTTTCTTGATGATCAAAATCGTTACATTATGAGGAATGTCAAGGGACCAGTGAGGGAAGGTGACATTCTTACC  
CTGTTGGAGTCTGAGAGGGAAGCTAGAAGATTGCGTTAGATCAAACCCCACTTCACCAATTTGCAGTTGCTG  
AATGTTATGTTTATCCCCGTTTTAGTTTTATCTTCAAATAGAATGGCTCTTATCATTTTTTTCTCTTTATGTGTG  
GTTTCAGTGGCATTGTTGTTCTAAGCCAGAATACCTTAAGTGGACGAGTACTTTAATTGAGTTTGAACCATC  
TATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGCAACCAAAACCCCCCAAACTAAAAAACCCGGCACCCCAAG  
GGGGGGGCGGGACCCCAATTCCCCCAAAGGAGGGCCCATCACCGCGCACCACCGGGGCGGGGTTTACCCA  
GGCGTTCACCGGAAAAAC

>trans\_c\_5568 AY139764|Arabidopsis thaliana AT5g42220/K5J14\_2 mRNA, complete cds

AATCCAAATTTTCAGATCGACTCTCAAGATCTTGCTCGAAGGATCACATCTACCAATTCACCAAGGGACGTCTT  
TCGTGCTGTAGTTGAGAGCTCAGCTCGGCTTTCTGGCAGTAGTAGCGAAGATATAGCAAATGAGTTGTGCAGC  
GATGAGAGACTTGCTAAGGAATACGTAGAGATGTTATCCAGTGATGTAAACCGACGGTTACAAGGCAATTCC  
GATCAGGAAAAGTAAATTAATACGTGGGGAAGCCGAAGAGGGTATATTATATTATATGATGATTCATGGGT  
GGAACAGTGGCTTTGCTTGTTGGTAATGGTGAATTGATTATTTATCCTTTCTTTTCCCATGTGCTTTGTCGTTA  
TACACAAGATGATGCTCCAAAGTAACTTTATGTTACCATCTCCTTTAAATCATGTTTTGCATTTTTTTATTGTAGA  
TTCTCTAGGTTGTAAATACCTTCCTTTTTTTCCCTTTCTTTTCTGTTTCTGAGTATAAGACAATGGAGATATT  
TTCGAATCCTCTTGAGATTATTATTATGAAATTCAATATTATTATTGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5569 Novel Gene

GGAAAAAACAGAAAACAAGAAAGAAAAAACTTAAACCTATGATGTACATGCACTCAAACAACCAAGATGA  
AAGGATAATCAGATAAGACCATATTGGCCTCAGCAGCCCCTCCTTGGGCAGAAGATGGACTCGGTTCTTGAAT  
AGGTGATGGCTGATCACAATGTACGAATCAAAAAGCCTTCAGATGAAATTCACCTCAATAGTTTTCGACAT  
CTGAGAACCCAAATTTACCTTCTCCAGTCTGCTTGGATTACCTTTCCATTTCCATCTCTTGATCCGAGAAGTGCC  
TTATCATTTCTATTTCTCCTTTGCCACCCGCTTGAGTGAGTCTTTGTGTTCTGTTGAGACTGTGAGCTAATTTTA  
GCATTAGTGGGCGACGGTAAAGAATGACGTCGGTTGAGGTTACTTCTTCACTATCCTGTCCAAATCTTGGAG  
ATCCTTGTGCTCTCAGTTTTGCCTTGCAGATTAGTTGCTGCCATGTAGCTAGGTAAGGTTGGACTGTGTTGC

AACCCATTCTCTACTCGTTCTTGCTTGGCTGGAGTAGAAGATTCCGGCCAGATTCGGATTCTCGTTGTTAGT  
AAAATCTTCT

>trans\_c\_5570 Novel Gene

AATGCACAAGAGTGGAAGCTACAAATGGGAGGATCATAGACCTCCATCAGGTGTATATAAAGGAACAAATGG  
TGGAGAAGTGATCTCTTTCAGTGGTTGTGATGATGATCAAAGTCTGCAGACACTCAAGCTATGTCAAAGGTT  
ACAACCACAGGAGCCATGACATTTTCTTTCATAAAGGCCATTGAAAGTGGGGAAGCAACTACTTATGGTAATA  
TGTTAAATTCAATGAGATCCACCATTGTAATACCGACCTTAACCCAGGAGGCGACGTCGTTACTAGCCTAATC  
ACTATGCTTTTATCAGGTGGAAGTTTTTTGGAAGACTCGGACAGGAGCCACAGCTAACTGCCCATTCAACATTC  
GATGTGTACAGCAAGCCATTCTCCTTGAATATTTGTATATTATTGTGATTTTATTACAAGTTTCATCAATCTTTT  
TTCTTTTAAATTCTTAATTTAAAACAATCTTTTCTTATACTAGAAATTGAGATTATACCAACGTTTTTGTAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5571 Novel Gene

TGCCCCGTACCGCAAACCGACACAGGTAGGCGAGGAGAGAATCCTAAGGTGAGCGGGAGAACCAGCTCTAAG  
GAACTCGGCAAATAGCCCCGTAACCTCGGGAGAAGGGGTGCCTCCTCATCCCTTCTTAGGAAAGCGGCACA  
TACCAGGGGGTAGCGACTGTTTATTAACCAACAGGACTCTGCTAAGTGGTAACACGATGTATAGAGTCTGAC  
ACCTGCCCCGTGCTGGAAGGTGGAAGGAGAAGTGTGATAAGCTTTGAATGGAAGCCCCGGTAAACGGCGG  
CCTGCCAGATAACGGTCTTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTCGGGTAAAGTTCGACCCGCACGAATGGTGTACAG  
ACTGCCCCGCTGTCTCCGACATGGACCCGGTGAAATTGAATTCTCCGTGAAGATGCGGAGTACCAACAATCGA  
GTAACGGGACCCCGTGCACCTTCACTATAGCTTCGAGTGACAACCTTGATCGAATGTGTAGGATAGGTGGGA  
GTGTTGTACACACCATCAACCGAAGTCCCTCAACAGAGGGATGAGCCTTCGTAAGCCAATAATACAATCTCC  
CCTAAAAAAAAATAAAACG

>trans\_c\_5572 M76671|L.esculentum extensin (class II) gene, complete cds

CACCTCCAATGATAAAGCCTTAATTGCCAAAAGTCAAATCGATCCACTTTCAACCCAGAAAGTGGAGGAGAT  
GAAATCAGTCTCTTACCAACAAATTTAGATGTTGGAAACCAGCTGTTCTTCTTGTAGGATGTTTCCTTAAC  
AAAATCTTCCACATGGCAACTGATGACCAAAAAGAGAAGCTGCTGCAATCGATTGAACCATCTTAAACAGT  
TAACTGCTTCAACCCAACTACGAATTTGACTTTAAGACTCAAATTACAGACAAACTTCAAATTTACATTAACAT  
AAAAAAAAATCAATCCACCTGAATTCGGTCAATCAATTGAATGATCCAACCTTCAGATCCCCAAACGGTCTTA  
TTGACAGAAAGGGAAAAGAACAACACAACGGACACCAAATTTAATCAAAACACTACCACAGACATTCCCATCA  
TGCCAAGAAACAGAGCAAAATCCACAAAACCCACAAAACCCACTATTCCAAAACACAAAAGGGGAACAGGGG  
CATGCGAGTAAAGCGAAACAACCAAAAAGGGGTAGTGGGTATCGCTCAAATCTTAAATAAAACGGGCCCCCT  
TTATAGAAATC

>trans\_c\_5573 AB372265|Capsicum chinense mRNA for C2 domain-containing protein, complete  
cds

ACATCTCTTCTCTGTTTCCTTCCACGAACAACACACCACGCCGCCTTCTTCTTTATATACAAAAAGGGTA  
AAAGTTTTTGAAGGGCCAAGTCGACTTTAGAATTATACCATCTCGCATTTTGATTCTTCCATGTCGACATATAG  
CATTAGGGTCAACCTCTTGAAGTCACCGTTATTGGATGCACAAAGTTGAAAGATACAGAATGGATTTCAAGG  
CAGGATCCTTACGTGTGTCTTGAATATGGTAGTACAAAGTTTCGTACCACCACTTGACAGATGGTGGTAGAA  
ATCCAACATTCCAAGAGAAATTTGTTTTTCTTATTGAAGGGCTAAGAGAGATTATTGTCACAGTTTGAAT  
AGCAATACAGTTACTTATGATGACTTTATTGGCAATGAAAAATCCAATTGGCTAAAGTTCTAGCAAAAGGGT

ATGATGATAGCTCATGGTCACTTCAAACATAAACTGGCAGACATGCTGGGGAAGTACGACTGATACTACATTT  
CGCAAATGCCAATAGACCTACATCAAGTTTTGCGCCCTCAGCACCACTCCACAAGCCTCACCTTTCTATCCACC  
AGGACCT

>trans\_c\_5574 Novel Gene

GATTCTGGTGCTGATGAGCCTTCATCTAAAGAGAGGTTCAAACTTTAGAAAACATCAGATGCAATAGCTA  
ACGACAGTGCCATAATCAAAATTCTATACGGGAATGAAGGACAGTTACAGAAGTCAGGCGATAACCCAAATG  
AGAAGGACGGCGATGTAAATAAGAATAAAGCCGGGGATGGTGAAGGATTTATAGTGGTTAAAAACAGGAGA  
AACAGACAGCAGTTCACAAATGGGGTGGCTGGTCTGTACAACCAGCAAATCTGTGCTTCTGTTGCTTGAGATT  
ATTAGGCAGAAAGAAAGAAACCGATTCAAGGGTCGCTAAAGAAAATGGTTATCTATGGCTGGAGTTGCTCATT  
CTGAGTTCAAATCTGGAGAAACAAAGGATGCAATTTTGC GCGGGAATAAAAAACAGTGCATCTGGGCAAACG  
AATATGAAAGGCAAGTTTCATCTTTTTAATTTTGATTCTGCTGATTTTGTAGTTGCAACCCCACTTGTGAGCGT  
GCTGATAGTCTTTGCAAAAGTGCTCTTTTTTTTCTTGTTTTTTGTCCATTATCATTGAATTTTCTTAGATCAATA  
AAAGGGTAAATTT

>trans\_c\_5575 AY109784|Zea mays CL13738\_2 mRNA sequence

AATCTTCTTCGTCTGCGTTTTCGTTTTCAATCTTCAGTTGCAAACATTTCATTTTCGTCTTCTCTCCACCTTTTG  
TAGAGGGGTTCTTAATCGCTGTCTAATATAAAGTGAATTAGAGTCTGATAAAGCTCTAGGAATGGACCCCAAG  
CACACGGTAGAAATTTTGAAGCATTTGGAGAAGCAGGATGAGTTTCTTATGGATGCTTATAGATCAATGTCCC  
ATGAACTACATAAACTTCAGGTGCAAGAAGAAATGCTGATGCGCAAGTTTTATGAAATAATGTCAGCTCATGG  
TCTAGTAAAGAAGAATGAAGAGGATCGTAATAGTTCTGGCAGCGCAAGGAATGGCGATAACAACAACATCGA  
ATAAATTGCCGAGCCACTCGGTCCAAGGAAAGTCTCAATGTGACTCACATGTATTTACATTTTGTTCCTTAG  
TATAAATGAAACATTCTTTTCAAATATAGAAAGTAGAAAGGAAATGTACTTATTTAATTCATTAATCATTATTA  
CATACATGAATAATAATTAATAGATTGTATTGGATATAAAAAATATAACCGAACGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5576 AB290016|Fagopyrum esculentum FeATG8-1 mRNA for autophagy-related protein  
8, complete cds

AACGCAAAGACAGCGCTAATGGGAAGAACCAAATCCTTCAAGGACGAGTTCACCTACGAACAACGATTTGAG  
GAGTCGTTGGAAGTCTTGGCCAAGTATCCTGATCGAGTCCCCGTAATTGTTGAGAGATATGGGAAATGTGAAC  
TTCCTGAGATGGAAAAGAAGAAGTACCTCATTCTCGAGACATGTCTGTTGGCCAATTCATCCATGTTCTAAGC  
ACCAGGCTTCGTCTAGCACCTGGAAAAGCCCTCTTTGTATTCGTAAACAATACTTTGCCTCAAACAGCTAGCTT  
AATGAGTACGGTGTACGATTCATACAAGGACGATGATGGCTTTCTGTACATGTGTTACAGCAGTGAAAAAAC  
TTTGGCTGAGACTAATCTTGATTGAGATTAACGAATGCTGAAGCTGTTGTATTTCTGTAATCTCCTTGTGTGT  
CAATATATATATATATATTCCTTGGACAAATTTGTTTTACTATGTTGACATTATCCATAAATTATAATGTTAATG  
TGTATATCCCTTCATATTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5577 NM\_122281|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein (AT5G23760) mRNA, complete cds

GGCCCTTTTTAGAATTGTTTGTCTGTTCTTATTGTTGCTAAGAAGAAATAGATAAATGTAATTAATGGTTTATTT  
GTACAATGCAATTGAGAAATATAAAGTAGAAAGGTAGCTTCTTTCCTTTATATATGTGTTTTGATATTATGAAA  
ATGATGAGTATTTAAATTAGAATATTCTCAAAATTGACAGAAGAAGGAATTGTAAGTTTTTTAACATCAATAGT  
TTTACTTTTTTTCATCTTTATTAGCCTCCTCTTCTTGGGCTCCTCTTTTTTTCATCCTTTTTCTCATCCTTTTTCTC

CTCTTCTTCTCTTACTTTCTTCTCTTCTTCTTGCAGGTCCGACTGATATTATATCCACTTTTCTACTTTGTTCAATT  
TCTTCACTATCGCAACCGCGTCCATCGATCCTACCACCGTCAATTTCTGATCCTTCAGATCCGCCGCGATCGAAT  
CAACACCGTAGATGTCTGCCGAGCTTCGATTGCTTTCTGCTTCGTCTTCTCGTCCGTCATCGTCATCACCTTCA  
GCACAACTTTCTGAGCCATTTTAGCGAAAGGGGAAAAGAGAGATGAAAAGTAAATATGAAAAAAT

>trans\_c\_5578 Novel Gene

AAATCGAGAAACAGAGAGGCCAAAAATGGGTGGCCGTTCTTCGTTTTGTGGATTAAACAATGGTGGTGGTGGTG  
GTGATGTCGATAACCATCCTGAGTTCCAGCTACAGCTGCAGAGGTTGCGTTCTGATGAAGGCCAACGCCACGT  
ACGGTGGTGTGTGACGACCGAGATGATCATCTACCATGATATAACTCGGTTTCTCATGCCCCCAGGTTCCAA  
ACCAGTGACAGGTAACACCGGTGAACCAAACATCGTGCCATGTAACAATGGCCCCGGAACAGTTTGGTCA  
ATGCGGTGGTAATGCTAATAATCAACAACAGTGCAATCGATACGACACAATAACCTTGCTAATAATCCCTTC  
AGTTCCATATTAATATGATCACTATGACTCTGCTGTTTCTATGTCATCATGTAATCCCCTCTTCTTCTTCTTTT  
TTGTTTCTCTTAAAGTGGAGTTCGTTTGTGTTGGGTTTAAAGTTAACAATGTATTTGGGTGTTTGTGTTTGT  
TTGTGTGAAATAAGAACTAAATGAAATCACTCATCTTCTTTCTTGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5579 HM623871|Kalanchoe daigremontiana lupeol synthase mRNA, complete cds

CATCACATAGAAAGGAAGAGATCAATAAATTTATCAACAAGGCTATTCGATTTCTTCTGGACACACAAGTGCCT  
GATGGTTCTTGGTATGGAAATTGGGGGATTGCTATACATATGGAACATGGTTTGCCTTAAGGCATTGTCAA  
TGGCGGGGAAGACTTATGAAAATTGTGAAGCACTTCGAAAAGGAGCTAATTTCTAATTAACATACAAAATTC  
AGAAGGAGGGTTTGGAGAGAGCTACTTGTCATGTAGCAAGAAGAGATACATACCGTTGGATGGAAAACGAT  
CAAATTTGGTGCAAACGGCATGGGGTTTGATGGGTTTGATATGTGCTGGACAGGCAAATATAGACCCCAATCC  
AATTCATCGTGCTGCCAAGGTTTTGATCAATTCTCAAAGTGAAGATGGTGATTTTCCACAAGAGGAAATTACTG  
GAATATTCTTCAAAAATTGCACATTACACTATGCAGCATATAGAGAAGTTTTTCCAGTGATGGCATTGGGAGA  
ATATTGTAACAAAATTTCCCTGTTTTCTAATGAAAACAATAAATTTGAGATTTGAATTAATCAAACCTATAAAC  
TACAAATTAA

>trans\_c\_5580 NM\_115135|Arabidopsis thaliana FTSZ2-2; GTP binding / GTPase/ structural  
molecule (FTSZ2-2) mRNA, complete cds

ATGACCTTGTGGATCCAACCGCTAATCTAATATTTGGAGCAGTGATAGATCCTTCACTCAGTGGTCAAGTCAGT  
ATAACTCTAATTGCTACTGGATTTAAGCGCCAAGAAGAAAGCGAAGGAAGGCCCTTCAGGCCAGTCAACTAT  
CCCAGGGAGACAACAATTTTGAATCAACCGTAGACCTTCTCTTTGACTGAAGGTAGTTCGTTTCGAAATCCCA  
GAATTCTTGAAGAAGAAAGGCCGCTCACGCTATCCTAGAGCCTAATAACCTTAATTAAGTTGGAACATTTGTTT  
GTCACCACGACCTTCTTCTACGTACATATAATATGCTGCTATAGGCGGTAGTATCTGTATACCCTCCTTCGGT  
TTCGTTACTCTGTATATTTGTTGAGTAATAAATAGCTCATATATTGCTTATCTGTAGTTACAATATGAAATATAT  
GTTTCTAGCTAAAGAGCTTGAGTTAGTTGTGATCTTTGATAAAGTTGCTCGACAGTAGTTGTTTCAGCAAAAT  
ACTCTAATGGCTGAAGTCAATATGAAGTAGTGTTCTTGAATTGCCTTAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_5581 BT008375|Arabidopsis thaliana At4g00570 gene, complete cds

TGCGTTTGATTTACTGGTAGCCAGATTGGATTGGTTTCTGCTTCTTGATTTCTCCCTAAATCCAGCTTTATGT  
GGAACCTTGTGAAGTTTACTGCAGCGAGTTGTCGCCGATCTAGGTGGTTATCGACTGCGATTCTGGTCTTG  
TATTGTCCATAAGCGCGGGCTGATATTCTATACGATCCTTCGTTCAACAAGGATACTGGATTTCTCTCACAGA  
ACGAGACCGTCTAGGAATCCGTGGCCTTCTTCTCCACGAGTAATATAATTTGACCAACAATATGCCCATTTCA



TGGAATCATATCGGTCACTGGAGAGGAATACTCATGGCCAACCAGATGGCATTGTTTCATTGGCGAAATGGA  
GGATTTTAAACAGATTGCATGATAGGAATCAGACACTGTACTATCGAATTCCTCCAGTAATGCTAGATATTGGC  
ACTAGCAACGAGAAGTTACTTAATGATCGTCTTTGTAAGTGAAAGAGAAACCTTCATGTCTTTATCTCCATAT  
TTTCCTTGTAATGTATTGTGCTTATATTGCTCTGTTCTGTTGTACAATGGTGATATATCTGGGTTTTTTTGTG  
TTC

>trans\_c\_5582 XM\_002321525|Populus trichocarpa repressor, antagonist of e2f-dp complex  
(DEL1), mRNA

AGGATCAAGATTGTGAAAGAACTTCCAAGAGCTATCAATTTGGACCCTTGCTCCGGTAACAGTAGCTAAAGT  
TGGTGTCTTGGACAATAACAATGTGAAGCGGACTCACGATTGGGAAAGTCTTTCCTCAACATTCCGTCCCCAG  
TATCACAATCAAGCCTTAAAAGAACTTTTCTCCATTACGTGGAAGCTTGGAATCATGGTATTCTGAAGCAGT  
GAAGAAACCTATACAAATTTCTTGATGTGCTTTGTTGCTTGCCTCGAAATATTTAATAAGCTTATCTTGATTAAGC  
GTTGTTTCTACTGCAGTTCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAGCTTGGCCTTTTTCTTGGTTGCATTTCTTAGT  
GCACCAACGTAGTATAAGGTCATCTTGAAAGTGCCAAACACTTCCAATAGGTTCTGTTTGTATTATCCTGAA  
AACAAGCCTAACATAGTTGTTAGTAATTTTTTTTCTCTCTTCACTCTCACCATGTTATTTTATTGTAGTTATTTCT  
TCCCCCTACATTGTTCAATGAAATGGGCGACTTCGCCTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_5583 BT026416|Arabidopsis thaliana At3g27880 mRNA, complete cds

ACAGCATCGTCAAACAGGTGGAAATTTAGGGATCTTCTATACAATAACAGTCGAAGTAAAAGTGAAAGAGAG  
GATGAACTTGTGAAGAGGAAGTCGAGTATTATGAAGAACGATGAACTGGAAATGTATCAAAGGGAAAGGT  
AGATTATAGGTCTGTTTTCTTCACATCCTTCTCTGCACAGAACGCTCAGTATGGAAGGAACAGATCGGTGAAA  
GAACCGGAAAAGAGAAGATCCTACTTGCCATACAGACAACATTTGGTAGGATGTGTGGCTGATGCCAAAGGA  
AGGATATAGAATTTGCTTCCAATTTCTGAAGATTTGTTTGTGGATGCATTTCTGGAGCACATAACTATGATTCA  
AAAAGAACTGAAAAATTGTGTAGTTTCCAATCAGGTTTAAATTAGGTTTGTCTCGTCTCTATAATTTTGTATAT  
TTCATCAATTCTTTTTCTGTTCCAAAATGCTGTTTCTTTTGTGTTGCTGTGTATTACACAAATTACAAGTTGCT  
TGTGATTGTATCCAATCTTCCTTTAATGAAGACGATTCACAATGCGTTTCATGTGCGAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_5584 NM\_105064|Arabidopsis thaliana zinc finger (C3HC4-type RING finger) family  
protein (AT1G63900) mRNA, complete cds

CTTTTTCATCCCAATCCTTCCCATTTCTTCCAATTTTCTTACCAGATTTCAATTCGTTCTACAATCCACCCAAGAAT  
TCCTACTCCCAACTACCAATTGCCAATTCAGTCTGTTGTTTTTACGTATTATGAAGACTACAGGTTTCGAAATC  
TGAAATTGGGAATCTGCTATTGCTTGTGAGAATGCTTCCGTGGGGAGGTCTTAGCTGCTGTTTGAGTGCAGC  
TGCTCTTTATCTTCTTGAAGGAGTAGTGGCCGGGATGCGGAGTTACTGAAATCTGTCACGCGGGTCAATCAG  
TTGAAGGAATTGGCTCAATTGCTTGAGGCAGAACATTTGTTACCTCTGGTCGTTGCAATTTCTGGAAGAGTTA  
GCTCTGATACACCAATAAATTGTGAATTTAGTGGTTTAAAGGGGTGTAATTGTGCGAGGAAACGGCAGAACAAAC  
ATTTTCTAAAGCACAAACGATGCAGGATCATGGATTCAGGATTCTGCACTGATGCTCTCCATGAGCAAAGAAGT  
TCCTTGGTATCTGGATGATGGGACTGGGCGTGCGTTTGTGGTGGGAGCTCGTAGTGCCACAAATTTTATATTA  
CCAGTA

>trans\_c\_5585 Novel Gene

AGAACATATTCCTATAACAAATTTATTCACTTGCCTTTGGTTCAATGAAGTTGATCGTTTTACTTCAAGAGATCA  
GTTAAGCTTCTCAATGGTGAGAGACAAGATAATGTCTAAAGTCAACTGGAGCCTTAACATGTTCTTGGACTGT

GAAAGGCGCAATTTTGTATACAGACATATCATAGAGAACTACCGGAACACATGCCTCCTCTGCCAGAGCAA  
TTCTCCCTCGCCCTTCGCTAGTGCCCGATGGTCATACTGTTTCTAAGCCTTCGGTTCATATTGTTCAAAAGTCTC  
CACCAGTAAAGAGAAATTCTTCCAAGCGAGGAAGAAGCGATAAGAGGTCCACTTCAAAGCGGCATCGTAAAG  
TTATTGCTGGACATAGAGAGGATAATTCGTTCTAATTCGATTACATAAAAAAGAAAGTGTCTTTTCTTTTCTT  
TTCCCTTGACATTTTGTAGTTCAATCTCATTCTCGTTCCCTCAAATTTTACCAATTTGTACTGGAAATTGTTGAT  
ATATCTATATCTAATATATATTGGTTTCTGTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_5586 AF097667|Mesembryanthemum crystallinum protein phosphatase 2C homolog  
(PP2C) mRNA, complete cds

TTGTGGTCTAAGGATCTGGGGCACCATGTTTATGGACAATTCTCCATGGCAGTAATCCAAGCTAATAATGTGG  
TGGAAGATCAAAGCCAGCTTGAATCTGGGGCATTGAGTATGACCAATCCAGGTCCGCTGGGAACCTTTGTTG  
GAGTCTATGACGGCCATGGCGGAAGTGAAGCTTACGGTTTGTCAACGACAATCTCTTCAGCAATCTCAAAG  
ATATGCATCTTTACACCAAGACATATCAGAAAATGTTATCAGGAAGGCTTTTGAGCAACAGAAGAAGGGTTT  
CTCTCTCTGTCCAGAAACAGTGGCTTAATGAACCAAAGATTGCATCTGCTGGATCATGTTGTTTGGTAGGGAT  
CATATGCAATGGACAACATATATTGCAAATGCAGGCGATTACGAGTAGTGCTGGGAGAACTGAGAGAGC  
CACCAGAGAAGTGATTGCCATTCAATTGTCCACAGAACACAACGCAAGCATAGAGTCTGTGAGAGATGAACCT  
CGGATGGTTCATCCAGAAGATCCCAGATTGTGATTCTAAACACAATGTTTGGCGTGTTAAAGGTCTCTACAG  
GGTTTCAAG

>trans\_c\_5587 D49413|Cucumis sativus mRNA for CRG16, complete cds

CCGGGGGTTGCCAAACCTTCCATTCCTTTCTCTCTCAATATTCTTTCTTTTCTTACAAAACCTAATCTTTTCT  
CTTTTTTGAAGCAATGGCCGCCGTCTCTAATGTTTCTTTCATGGCTCTTGTTGCCCTCTTGTTGCCATCTTCTC  
CATTGCGCTCGCACAATCTGCAGAGTCTCCTGCTCCTGCTCCGGCTTCTCCGGCTAACTCTGTTGTTCCGTCCTT  
GAGTCTTGCTTGTTGTTGGTGCTTTCGTTGCTCTCCTCTTGGATCTGCACTCAAGGCTTGAATGATACTTTGTAC  
GCGTTTTGTGATTTTAGCAATGGATTGTTTACTGATGATGCTCGATTACATTATGGAGGGTTTTTATTGACTAT  
ATTATTGAGTGTATAGGACATGGTTTTCGACGATGTCAAGAATTAGGTTTTATTAGAGATTGGTGGTTTGTATT  
CATGTATTATTATTATTATTGTTGTTATCTCATTATTAATATTGTTCTTTTATATATCCACATTATTTGAGTAA  
ATAAATTATTTTCAAGTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5588 Novel Gene

TGTAGCTCCCTTTCCGTCATGCTAATTTAAGAAGTCAGTAATTCAAAGTAAGATACATTACTTTCCTTAGGTTTC  
TATTCCTTGTGTGAATCTTTTGAATATAGGCAATAACTACATGAGCATGGCCAGCAGATATCAACAATGTTAG  
GAAAAGTTAGAGAAGCATATAGCAGGCAGAAGAATTATCCCCGGATGTATAGCGAAATTATACCTACTTTGA  
GGAGTAGATCTATTACTACTATTATAGAGAGGATCTCCACAAGTATCATCTTCATCAATACATACTCCTAACAG  
CAAATACATATAAACTCATACATTTAGGACAGATGATTTGGTTTATGAGAGTTAGGTTTCTTCTATGTTTTATT  
TTGTGCCCAATTTGGGTGTGTGCTGGACCATGCTGACTAAAAGAACTACGGTCGGATTAACCTCGTTTTACAT  
TGTTTCATCATCTACACATAAGTTCTGTTTGTCTTGGTATTATTCATAGTTAGAGGTAGGATTTAAATTTCTGT  
GAAGCTCACAAGAGCCTCTTATGTACATAGTAGTAGGGTCTAAGTTAACAGAAGAAGAAAAGATTTGAGAA  
AT

>trans\_c\_5589 NM\_001185274|Oryza sativa Japonica Group Os01g0178300 (Os01g0178300)  
mRNA, complete cds

ATCAGAAATAGTAATGAAGCAGCTGGATACGCCATGAGCCATAGCTTTGCCTTTAAGGATATTAAGTACCAA  
AATAGAAAAAAGGCCGAATAGATGATCAGATCAATAGCTTAGATCGAAGTTGAATGAAAATCGCAGCAATG  
GCGGTAGCAGCAGCACCTCAAGAACAGATGATGTCGTAACGATCATATCCAAAAGCGTAGGGAAGATAAA  
GGCTGTCTCTATGCTTTTTTGTACGTTGTGTTGCTGTTGTTGCTGCTATGAACTTGCGAGTGTTGTGTGGAT  
GGCGTATGTTGCTGCTGCTGATCTTAATGCATAGATATGGCCCTTTCTAATGCAGCTCAGTTCAAATCAAACAA  
AGTTCTTAATTTGAATTAGCCATCTATATGTTTTGTAAAATTTGTTAGATTATGTTTTTTTTTGGTACAATTACT  
TTCCAGATAGAAGATTCAACCTTCCATTTGTAAAGGAATACATGATGAACATTATTTTTCTAATGTAATACTTGT  
ATTCAAATGGTTAAAAAATTATGTTAACTAGTTGTGTTTGTGGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_5590 AJ630104|Pisum sativum mRNA for galactokinase (galk gene)

TAATAACAGAGTTGTTGAATGCCGACTTGCTTCTATTATTCTAGGCATAAAGCTTGGGATGAAACCAGAAGAA  
GCGATAAAAAAATGTGAAGACTTTATCTGATGTGGAAGGGCTGTGTCTTTCATTTGCTAAGGAGCGTAACTCT  
TCAGATCCTGTGCTTGCTGTCAAGGAAGTGTGAAGGAGGAACCTATACAGCTGAAGAAATCGAACAAATC  
ACTGTGGACAATCTGCCATCCGTTTTAGGCAACTCTCCTACTTCATTGGACGTTTTGAAAGCTGCCAAGCATTT  
CAAGTTGTATCAGCGGGCATCCCACGTGTACTCTGAAGCCAGACGAGTGTATGCTTTCAGGATGCTGTTTCA  
TCAAGTTTAAGTGAGGAAGACAAGCTTAAGAAGCTCGGTGATCTTATGAATGATAGCCACTACAGCTGTAGC  
GTTCTTTATGAATGCAGCTGTCCCGAGTTGGAGGAAACTTGTAAAGATATGCCGGGACAACGACGCTCTCGGA  
GCCAGGTAACTGGAGCAGGATGGGGTGGCTGTGCAGTCGCTCTTGTAAGAAGCCATTGTTCCCGAGTTC  
ATTCATAATCT

>trans\_c\_5591 DQ000202|Nicotiana benthamiana VIP2 mRNA, complete cds

TCTCAGCAGTTCTCTATTGGAAGATCTGCTGGATTAACTAGGGGGCACATATTCACACCGACCCAGCAGC  
AGCAACAACATTCTCCAGCTGTCAGTAACAGCTCGGTCTCCTTCCACCTGCAAATAATCAGGATCTCCTACATT  
TACATGGATCAGATATGTTCCCATCTTCACATGCTGCATCCTATCACCAGCAGTCTAGTGGGCCTCCTGGTATT  
GGGTAAAGACCTCTGAGCTCTCCTAGTTAGCTTCTGGAATGAGTTATGACCAACTTATTCAGCAATATCAGCA  
GCATCCAGTCAATCTCAGTTTCGATTGCAACATATGTCCGGTGTTAGCCAGTCGTTAGAGATCAAGGCATGA  
AATCTATGCAGGCGACTCAATCTTCTCCTGATCCATTGGCTTACTTGGCTTGTTAAGTGTGATAAGGTTGAGC  
GATCCTGATCTTGCATCCCTTGCACTTGAATCGATTTGACCACATTAGGATTAATTTGAATTCAGCAGATAA  
CCTTCACAAGACTTTTGGCTCCCATGGTCTGATGACCCTGCCAGGGGCGATCCGGATTTCATTGTACCACAAT

>trans\_c\_5592 XM\_002311284|Populus trichocarpa SET domain-containing protein, mRNA

AGCAGATAATCCAAATTTTCAGAGACAGGGAGCTGGAATTGGATCAATTGGAATATTACCAAGAAAGGAGGC  
TAAAGGATCTTGGGCTATGTGGGGAGCAAGGTGAAATAATCTTTGGGAGTCCAAATAGAAGGCCCTTCTA  
CTGCCTTAACAAAAAGGCTGAGAGAACATCAAAACATCCTTTTTAGGAATTAATACATGGGGTTCCATTATT  
GGCGTGTCTTGTCCACCTGATGTTTCAATTAATCTGTGAGTAAATATTTGGTTTCTTCTAAATCAAATAGGCT  
AGGTACATTGTCTCCATATTTTAATTAATAATTTATATTAATAATTGGTGATGAAATATCCTTTATTATATCCGT  
ATCAGAGCTTACGTGTTGCACAGTTCAGTTAACGTTACTATGTATTTTTCTTTTACTTGCAATTTATCATCCTTCG  
TTAATGATGCAGTTTTTTGTTTTGTTTATTCTTTTTTGTTCCTTTTGTTCCTTTGGGTTGAACAATGTGAGGGTT  
GATGGATTCAAATAAATGTCTAAGTTTAGTCGATTGAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5593 AF049351|Nicotiana tabacum alpha-expansin precursor (Nt-EXPA2) mRNA,  
complete cds

AAAAGGATGCTAGGGAGACACTGCGTCTTCTCATCAGCAGTTCAAGCCAGGGTAACTCTCAATTGATGAACGT  
TCTCCCTGTTGTTCTAACGGATTCTGAAGCAAATCAAAGTTTATTTTTGACTGGAAGTCGTGGTCTCTACAGTA  
GTGCTCGAGATATTGATGCAATAGCAAGCAGCATTGCTTCTCTAGGCATTGTGTCACTTTCAGGGCAATCCACA  
AGTGAGCATGTAGGGAAAAGATTCAATGTTGACGGTTTGAACGGGCATTTCGGATAACAGCAGTGAATCAGAA  
AGTAGCTCTTGTTGGATGATGTGCTTCCCCATCTCATTCCGACGAAAGGAAGTCTGGTTGATAGAAATTTTA  
CGTTCATACATTCATTTCTTCTTTGTAGATCTTGGTCACATTTGTTGCCATCTGCTAATATGTAGATATGTTCCC  
TTTTGTATTCCGAGTTATAGTTAGTTTAGTTCTTCACCAAAGAGGTTGGTGAGTTCGTTTTTCGTTTTTGTCT  
GTACGTCCCTAGTTTTATATTGCTTAGTGTATGGTTGTGTTTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5594 NM\_111000|Arabidopsis thaliana protein transport protein SEC13 family protein /  
WD-40 repeat family protein (AT3G01340) mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAATAAATGCATAAAATATTACTCATTTCTCACCTCAAAATCTGATT  
AAGAGTTATGAAAACATGCAATCATAGTACAAAAGATTGTGAACTAAATACAGGGAAAAGTGTAAACAATATC  
GAGCAACATGCCCTGACAACACACAAAAACATAATGGAATGATAAAGACTAACAAATGAATAACCTAAGGCT  
CAACTGTAGTTACTTGCTGCCATTTACCACTGGCTGCTTCTTCCACAAAGTAATGTGGTTATTCCCATCAGAAA  
CAGCCAACAAGTCTCCAGTCAATGACCACGAAACCTTCCAGATGGGAGTCTTAAATCATTATCAGTGTAGC  
ATCCCATTTCCCTCCTTCTTTGTTGACCAAATAATCACTGTACCATCCTGAGAACCACTTGCAATGGTGGATTT  
TTGAAGCCCTAGGTTTGGTGACCAAGCCACGTCCCTCACCAATCAGTGTGCATCTGAAGGGAAAGGGAGGA  
ATCCCTCCTCCAGCTTCCATCTTTGAGTGTCCAAACCTTCACTGTACTATCAAAGCCCCCGGAAGCTAGCTTC

>trans\_c\_5595 XM\_002873422|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AACTGTGAGTACAGCAGTTGCTGAAGAAGCATTATCACAATGCTTGAACAGAAGCACGTATCAATCTAGACAT  
GCAGAGGATACATCGGCTGGTGGCAGCGAGTATGAGGATGGCGTCAAATGTTGTATCTGCCAGGAGGAGTA  
CTTGAATGGAGATGAAGTCGGGACGCTGCAGTGTGAGCATACTACCATGAAGGGTGCATACATCAGTGGCT  
GCGGCTGAAGAACTGGTGCCCCATTTGCAAAGCATCTGTGGAGGAACCTGCTTCGGCTCTACCTTCGTAATTC  
GTTTGATTATGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAGGAGGATCAATCTTCTCCTCCCCCCCCACCCCCCAAGATTTA  
TTGTACATAGCATATCTGTTCTATTTAAACCAAGTTAATAAGCACAGGCCAACCTTTGGCTTTGAAGTCCAAC  
TCAGTCTAATCGGTGAATGAAATATCTCCCCACTTGTACAAACCGTCCTTTTAAATTTTCAATTTTCAATTTACT  
GAATTTTCTAAATTGGACTGAAAGCAGCCAGATTTATATCTGATTTTTGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_5596 NM\_179623|Arabidopsis thaliana VSR-2; calcium ion binding (VSR-2) mRNA,  
complete cds

GAGAAAAACAGCTTGAGGGTGACTTCTCCTGAGAAAATCAGGGGGACTTATGATTCTGCCATTGGAAATTTTG  
GGATTCCTCAGTATGGAGGTAGCTTGGCAGGTGTGGTGGTTTATCCAAAGGAGAATCAGAAAGGTTGTAAAG  
ACTTCAGTGATTTTCATATCTCGTTCCAGTCGAAGCCGGGGTCTCTCCTATATTGTCATGGTCGATCGTGGA  
GATTGTTTATTTGCTCTTAAGGTTTGAATGCCCCAAAGGTAGGTGCTTCTGCAGTCTTGTTCAGACCACT  
TGACGAGCCATTAATCACTATGGACTCACCAGAGGAGGATGGTTCAACTGCAACATACGTAGAAAATATAACA  
ATACCATCTGCACTTATAAGAAAGGGTTTCAGTGAACAATTAAGAAAGAAATCAATGCTGGGGAAATGGTC  
AGCCTGAGTCTTGATTGGAGAGAAGCTGTTCCACATCCTGATGATCGTGTGGAATATGAGCTCTGGACTAATA  
GTAATGATGAATGTGGGTTTAAATGTGACATGTTGATGGAGTTTTTGAAAGACTTCAAGGGTGCTGCTCAGAT  
ACTTGAA

>trans\_c\_5597 XM\_002889593|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AGTGGAAGAGGCTTCAAAGATGCGGCAATGGGGAGATGAAGTTATGGATGGAGATGCGTTACGGGATCTGA  
TTTCGCCGGTGACGGCGAATATTGAAACGGATGATTATGCAGAGTATTTAAGAACAGAGCTTCTATATCAAAC  
AAGCCTTCTTCAAGAACCTAACCACTCTGCTTCTTACGAACTACGCCCAGTTCCTGTACCTCGTCGCCCATGA  
TTATGACAGGGCGGAGGAGTATTCAAGCGAGCCGTGGCAGTGGAGCCGCCGGAAGCGGAGGCGTTTCGACA  
AATACGCCGTCTTCTTATGGCGGGTAAGGAAGGATTTATGGGCGGCGGAGGAGACTTTTTTGGAGGCTATTT  
CTGCCGATCCTGGTAACTCTTATTACGCAGCTAATTACGCCATTTTCTATGGAACACCGGCGGCGATGACACG  
TGTTTTCTCTCGAGTCGCCGGAAGCTTAGAGAGGAATGAGGAGAGAATTAATTGGTTGTGTTTGTATTAATA  
TTAATTCTGAGGACCAATCAATCTACGGCGCCAGCGGTGGCGTTTGTAAAGGAAAGTGGTGGTGGTGGTGGT  
GAGGATGGTC

>trans\_c\_5598 HQ622716|Phaseolus vulgaris cultivar BAT93 60S acidic ribosomal protein PO  
mRNA, complete cds

AATAACAATACCGGAGTCTTTTAAGCTCCCCAGGAGTTGTCCAAAACCTAAAAAACCTTCTTAGCATTACAC  
AGAGGTTAAAGAGACGGCATAGCTTCGCTGTCCGCCTTGGCAGAGCATCCAGCTTCGTCTTGGCCCTCAGTTT  
TGCTTTTTTCTTTCTTCTGTAACCTCCTTTTTTGTGTATCTTAGAATTTTACCCATTTCAATGGCTATCAAACCC  
ACCAAGGCTGAAAAGAAGGTTGCTTACGACTCCAAGCTCTGCCAGCTTCTCGATGAGTATAGCCAGGTCTTGG  
TTGTGGCCGCTGACAATGTTGGATCCAACCAGCTCCAGAACATTAGGAAGGGTCTCCGTGGTGATTCCATTGT  
GCTCATGGGGAAAAACACCATGATGAAGCGCTCTGTGAGGATCCACTCTGAGCAGACTGGTAACAAGGCTTA  
CCTCAACCTTCTTCCCTTCTTGTGGGCAATGTTGGTTTGATCTTCACCAAGGGTGATTGAAGGAAGTCAGTG  
AAGAGGTGGCCAAATACAAGGTTGGAGCCCCTGCTCGTGTGTGGGTTGGTACTTGGTTGATGTCATGCAGG  
GTG

>trans\_c\_5599 HM122730|Malus x domestica YABBY domain class transcription factor (YABBY3)  
mRNA, complete cds

ATCATCAAAATCCAACACTAAGATGAAAATGAGAGCTCCAATTAAGAACCCTACAAATGATCATCATGATAAA  
AGGCTCATTAATCGACCTCCCGAGAAGAGGCAGAGAGTACCTTCTGCATATAATCAGTTTATAAAAGAGGAAA  
TCCAAAGGATCAAAGCACTAATCCAGATATTACCCACAGGGAAGCCTTCAGTACTGCTGCTAAAAATTGGGC  
ACATTTCCACATATTCATTTTGGCCTCATGCCGATACCAACAATCTGCAGACTAAGAATGATGGATCTGAGA  
AGCATCTGATGTCAGTGTGAGGGCTGCACTATTGATTGATTGAAGAAATGATTATGATCATAATTGGGTATTA  
ATTAGATATTGAAAAGGAAAAATTATGATCTCTAAACCCCAAAAAAAAAAAGGGAAAAAAAAAAAACTCTTCT  
AGAGCACTTGAAAATTGAGTATTTTCAAGGAGTGAACAAATTAACAGCCATGCATATGTTTCCTTGTTCCTTT  
CTATGTTTATTTGCAATTTAGTTTATTGATTGTGAATATAATCTGTATTTCTTTTATTAATGTTTCTGATTGA  
T

>trans\_c\_5600 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

AAATAAGTATTCATAAATATATATAGACGCATTAAGTACGCCATTGATAGCCTCTACTCGTGTCCCGATC  
TACTCTCTAGCCCTTGCCCTCGATTGTTTGTCTTGGCCTGAGCTTTCCTCAAGTTGGCTCCGCTATTTCGA  
GAGTTTGCTGAGCTTCTTGTGGATCAATGTCACTAGCCTTCTCCGCATCATTTACTAAAATAGTGACCTCATTAT  
TGCCTATTCTAGCAAAACCACCCATCAGAGCCATCGTTAACCATCCATCATTGAAGACGGAACGTATGGGCAC  
CCGCACTATATCTACAGCTGTGGCAATAGGTGCGTGATCTGGTAATACCAATTTGGCCACTATTCGTAACCTA  
AAATGATTTCTTTCACTTCTGAATCCCAATAATTGATTGCGAGTCAGGACACTAAGATTTAAGGTCATTTCTT  
CAATTTGCTCTCCATTTCTAAGTTATGCTAAGGATACTGCTAGGACGATCGTGGCAACTCGCTACAGGCCAAGC  
AGCTAGGAAGAAATGTAAAGAACGAGAGTTGTTGAACTAGCATATTGGAAGATCAATCGGCCAAAATAA

>trans\_c\_5601 Novel Gene

AGGGCTCTCTTTTGTGGAGCGTATTTTATCCTTATTTTCAATCGCTATGGATCGGTACACAGAGTTGAGAA  
GCCAAGGGCTGAACTCCAATTGACGAGAATGAAATTCGGATTACTAGCCAAGGACGGATGCGTAACTATAT  
CACTTATGCCATGACCCTACTTCAGGAAAAAGGTTCTAATGAAATTGTTTTCAAAGCAATGGGAAGGGCTATA  
AACAAGACTGTGACAATAGTGGAATTAATCAAGAGGCGAATTGTAGGTCTTCATCAGAACACGTCAATTGGCT  
CCACGGACATCACTGATACGTAGGAGCCCTTGGAGGAAGGCCTTCTTCCATTGGAAACAACAAGGCATGTCTC  
GATGATTGTGATAACCCTTTCGAAGAAGGAATTGAATAAATCCTCTGTGGGGTATCAGCCTCCACTTCCTGCA  
GAGCTGGTGAAAACATTTGTAGAGTATGACTACGAGGGAGAAGGCTCACCTCATGATCAGGGTCCAGGACGA  
GGTAGAGGACGTGGCCGTAATGGCAGAGGAAGGTCTAGGGGTAGAGGACCCCCGGGTAATGGCTTTGTGGC  
TAATGAATA

>trans\_c\_5602 U11638|Solanum tuberosum L. chloroplast ribosomal protein S16 (rps16) precursor  
mRNA, complete cds

CTATATCATTATTTTATGGGTTTCAATAAATTGAAGTATTGCTAAGACTTTTTCAAAAACCTACCCATGTCATAAG  
AGTATAGATTACTATGGACCACTAACCCAATGACTATACATGATTCCATAAATGAATCAATTACATACCAGTT  
CCAAGAAATTAGAGGTTATGGTAAACTTCGTTTAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAGCCGTTTATCGAAT  
CATTGCAATTGATGTTTCGATGCCGAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGTAAAGTGGGTTTTTATGATCCGATAAAG  
AATCAAACCTATTTAAATGTTCTGCTATTCTATATTTCTTGAAAAGGGTGCTCAACCTACAGGAACTGTTTCAT  
GATATTTTAAAGAAGGCAGGTGTTTTTACGGAACCTCACCTTAATCAATAACCGAAATTCCATTTTTATTAATGA  
AATAAAAAACGAGGGTGTGATAACTTAACCTTGATATAGCTTTGACTAACCTTTTCTTTAGTATTTCCCCCTCT  
CTCTTGTTCATTACTATACACTTATTACCTTAAATTGCGTCTTCGCTAGCGTGACGTGATACGGG

>trans\_c\_5603 EU597746|Vitis vinifera GAGA-binding transcriptional activator BBR/BPC6-like gene,  
complete cds

ATTGCTACTCTTCAGTATCGTGAAAACCTCTATAAATAACAATTTATCATGTCCACCAGGATGCCAAATTGCTAG  
GGGAGTGAAGCATATACATCATCCGCAGCAGCAACACACACATCATGTGCCCCACATGAATGAGAATAATTAC  
AATTCCAGAGATATGCTTGCTTCCAACGACCCTTGCCCAACATCCCCCGTTGCTTCTGAATCAACAAAGGCACG  
ACGAAACAAGCGTACAAAAGAGGGAAAGACAGTCACAACACCAAACAAGAAAGTTTCAAAAGGTCCACGGA  
AGGTCAAAAGGGAGGCTGAAGACTTGAACAAGATAATGTTGGGGAAGTCGCAAGAATGGAAGGATGGAATT  
GGTATAATGAGTGGAGGTGACGATCTTAATAAACAGTTGGTAGTATCAAAATCAGATTGGAAAGGCCAGGAT  
TTAGGATTAAACCAGTTGCCTTTGACGAATCAACCATGCCAGCTCCAATATGTTCTGCACAGGAGTAATAA  
GACAATGCTACAAATGGGGGAATGGTGGATGGCAATCTGCATGTTGTACTACCACCCTCTCAATGTATCCATT  
ACCTGCCGT

>trans\_c\_5604 Novel Gene

TTATACAGGTGGTTATGCCGGTGGACAAGCTCGACAAGCCCAACAACAGTAATTTGATGATCTAAAAGTGAAC  
TGGATTTGCGCATGTTCTGTGTCTCCCTGTTTGTTTTATGAGAATTGAGATCGATGTTTTCCAGTTGCTTATTAA  
AAAAAGTTTTCTTGTTGCTGACTGAAGCAGTGGCCCAATTTGGAACACAATGAGCCTGGAGGGATGCCCGG  
AGTTGTAAAAGTGGAGTCAAGAGAGTCCACTCATGGCTGAACACAGGCTTCATAATGAAAGACCGTGTTGGG  
GATGCGTGTGTTTCAGCATTTATGGAACCTCGAGGACCTTAAATCGGTTGAAAAATGGATTTACCCCGGAACCTGA  
ATATGTTCTCCTGCAAGGCCCTGCCAGCACTATCAAGTATTTCAAGTCTCTGGCATTGCAAGTCATGAGTTTAT  
AGTAAATCTTCTCAAGGTAGTCGAATCCATACCTTCAAGATTTGGTTATGTAGGATACTTGGTATTAATTATGA

GTAGGTATTGATTTGAGGTTCTTTGTTGAAACAGATTCCAATTAAGTTTTAGAGTGAATAAAGTAAAACTTCAT  
AGC

>trans\_c\_5605 Z21794|M.domestica ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase activase  
mRNA

AACTTTGAACTCTCGAAACTTCATTCTTCTTACTACAAAAATATCCTCTTCCCCCTTTCATTTCTTCAACTTCTTC  
TATCAAACAGTTAGTGAAACACACTCCAAATTCCTCTCTAAACCCATGGCCACCGCCGGAGCCGTCAACAGAAT  
TCCGCTGAGTTTAAATGGTGCCATTGCTGGGCCTTCAGTTCAAAGCTCTACTTTCTTAGGCAGCAACTTGAAGA  
AAGCCAACTTCAGATTTCCCAATTCAAAGGTCTCCTCAGGAAGTAGCTTCAAGGTAGTTGCTGTTGCAGAGGA  
GATTGATGAAAAGAAACAACTAACAAGGATAAATGGAAGGGGCTTGCTTTTGATATATCTGATGATCAACA  
AGACATTACCAGAGGAAAAGGAATGGTTGACTCACTCTTCAAGCTCCTACTGGAGCAGGAACTCATGATCCT  
GTTCTTAGTTCTTATGAATATTTAAGTGCTGGACTTCGTCAGTACAATTTAGACAACGATGTGGAGGGTTTTTA  
CATTGCTCCTGCTTTTATGGACAACTAGTGGTTCATATCACTAAGAACTTCATGAAACTTCCCAACATCAA

>trans\_c\_5606 HM346853|Vitis hybrid cultivar isolate g2p\_01 pathogenesis-related protein 1 (PR-1)  
gene, complete cds

ACCACCAAATACAAAAGAATATTCTACTCCAAAACCCCCCAGAAAATGGTTTCTCCACCATTATTATTCTGTC  
TACCATTGCTTGGTAAGTTTCCTCCTAGCTACTACCATCTCCAATGCCCAAACTCCCCCAAGATTTTGTCAA  
TACACACAACGACATCCGACCAGCGGTAGGCGTCAGCCCAGTCTCCTGGGACGACACTCTAGCTACCTATGCT  
CAGAGTTATGCTGATAGTAAGATCAATACTTGTGACATGGAGAACTCCAATGGCCCCTACGGTGAAAACCTAG  
CTGAGGGGTATGACGAGATGACAGGGGTGGAGGCGGTCAAGTTCTGGGCAACCGAGAAAAAGTTCTACAAC  
CACCATTTGAATCGATGCGTCGGGGACGAGTGTGGGCACTATACACAAATAGTGTGGAGGCACACTACAAAC  
ATAGGGTGTGGTAGAGTGAAGTGTGAGAACAAATTGGGTCTTGTGATCTGCAACTATAATCCTCCTGGCAACT  
ATATTGGCCAACATCCTTACTGATAATATATTATAGAAGTTTATACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_5607 FJ649655|Nicotiana tabacum SuRB gene, complete cds

CAGTTTCATCATGAATGTCCAAGAACTAACAACAATCAGCGTCTAGAACTTCCAGTGAAGATCCTGCTCCTGA  
ACAACCAGCATCTGGGCATGGTTGTGCAGTGGGAGGATCGGTTCTACAAAGCCAACAGAGCTCACACTTACCT  
GGGAAATCCATCGAACGAATCTGAGATATCCCCAACATGTTGAAGTTTGCAGAGGCGTGTGGGATCCCTGCT  
GCACGCGTGACAAAGAGGGCCGAGTTAAGAGCAGCAATGAAGAAGATGCTGGAGACAGAAGGACCTTACTT  
GTTGGATGTGATTGTACCACATCAAGAACATGTGCTGCCTATGATTCTAGTGGTGGTCTTCAAAGATGTG  
ATCAGAGAAGGAGATGGAAGATGCGTATACTAATATGAATAATATAATCCATTTTCACTTCACCATTTTAAGTT  
CTCCCTATGTACATTTTTTCCCTCCATCTCCTTAGTTTGTTTGTAGTTTCTGGCGCTTTATCATAAACAATGT  
TGTAAGAGTTCGCTCTACTTAAATTATGTTTTGTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5608 EU328283|Zea mays RFLP probe p-csu613 mRNA sequence

ATTTTCTTTTGAAGATAACTCGGCGATTTTTTCCCTTTCAATTCCGCTCACGTCAATCGCTCGTCTATTTAAAAGA  
GCTCCTTACTCGCGTTCTTCTCAGTTAGCATTTTCGCAACTGTAATCCAGCTTCAACCGTAAGCAACAAAGAAG  
ATTTGCCATGGGTTTGAAGGAGGACTTTGAGGAGTATGCTGAGAAAGCAAAGACCTTGCCAGAGAACACAAG  
CAATGAAAACAACTCATTCTATGGACTATACAAGCAGGCCACTGTTGGACCCGTGACCACTTCCCACCTG  
GAATGTTCAACCAGAAGGAAAGAGCCAAATGGGATGCCTGGAAGGCTGTTGAAGCAAAATCCAAGGAAGAT  
GCGATGAATGACTACATCACCAAGGTGAAACAATTGCAAGAGGCAGCTGCTGCTAGCTGATGAGTTTCTTGAT

TATCTGTATGGACAATGATGTTGAAATAATCTTTGTTTTAAGTTCAGTACTCTAATCGTATTTATCTAAGTTGTG  
TAACAATGAACTATGTGCAAGTATTATCACTGTCATATTTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5609 FN432043|Nicotiana benthamiana mRNA for non-cell-autonomous protein pathway  
(ncapp gene)

TGGTTGGAAGCAGAATAAACAAGCTACCAAAAGGCTATGACATAAACTATGCTCTGGACGATGGCACCAGGG  
AACATAAACTGAAGAAAGCAGCAGTTGTGCACGACAAGAAGTCGGGACGAATGTTGGAGCTATCAACAAAC  
GTTCCCGGTGCGCAGTTGTATACCGGAACTATATAAAGGATGTAAAGGGGAAGGGTGGATTCTGTGTACCAG  
GCTCATGCTGCGCTTTGTTTGGAGACTCAAGGATTTCTGATGCAGTGAATCACCACAATTTTCTTCAACCATT  
GTAECTCTAAGAAGCCTTACAAACACATTATGCTATTCAAGTTCTCAACTAAGTGAAGTGTTCATCCTATTTTA  
CCCGACAAATAAGTCCTTTTTTAACCTTCTTCTGTAATGATGTAGCTTTGAAAATAAGATTTTCTTCTAGCTTTTG  
AGAGCTCTGTATTATGTATCATTTCAATGGAATGAATGGTTGGAGGTTGGAAATAACGAAGAGTCATTCTTGA  
GCTCTCTATTTGTTCAAACCTCAACCAATTTCTTTTCTCCAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5610 NM\_001064667|Oryza sativa Japonica Group Os06g0633800 (Os06g0633800)  
mRNA, complete cds

GATAAACCCAGAGTTATAAAATTTTTATTAGCTTCAAAATATCAATAAGATATAGTTACGATGAGTAGTACAACC  
GACTCTGCTATCGACACATTTACATTAGAGACAATGGGAAGGTTTGCATTTGCAAATACAAAACGCCACCTG  
GCCAATTGCATACGTATTTTAATGTGATTGAGCATAAAGTTTCTACTACAGATCAAGGAAGAAAAGTCAGTCT  
AACCTATGAAGAGCAAGTAAGAACACCGACTCAACTCACCTAGAAAAACGTAAAGCTGAAGTGCAAGATAC  
AACATCTACCAAGACATGGAACTCTTAAGCTCAATATGAAAACTCTTGCTACTAACCATGGCATCATGGTC  
TACATCATCTAAGTCTTATGAGGGGAATAAAAGTAGAAAATGTTTGAATAAAATCAAGGAGGACAATATACAC  
TCTTGGTCTATATTGAGTGTGTCGGTTTTGTCCTTGAGTTCTTAAATATGTTTAAATTGCTCTATTGTATGTTT  
GACCCTTGATAAATAAATTTATTGATGATGTTGCATTTCAATTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5611 NM\_111464|Arabidopsis thaliana neurofilament protein-related (AT3G05900)  
mRNA, complete cds

CACCTGACTTTCCACCTCATGATGTGAAAGAAGATGAAAAGAAGGAATCAAGCAACATTGATGTAGTTGCACA  
GTTATCAGTAGAGGAAGCACCCGCTATGGAGAAAGTGGGAGAGGAAAATGAAGAAAAGGAATGAAGACT  
GAGAAGGCAGATGAAGCTACTCATGAGAACATACAAAACATAACGCTGCCAAGAGAAGAGGTGGCTCCAAG  
AGACTATGAACTGATGTTGTGGTAGCAGGAAAGTCAATTGATGACCAAAAAGCTGGTGAAGTCGCTGATCT  
GATTGCAGAAACCAAGGTTGAGGAGAGTATTACAGACGAGAACTAGCACCGGTTGAGACTGTCAATGCTCA  
AGGAAATGAAACACCTAAAGAAACCCAAGAGCTTGAGTTGGAAGTAAAAGATGAAGAAAAAGTGAGGGAAG  
AAGCTGAAGTTCCGAAAGTTAATGACAAGAAAGAAGTTCCATCGAAGCCTAGTCATAAGCATTACACAATAT  
TTTATCGAAAGTAAACAGTCACTGGTGAAGGCAAAGAAAGCCATCATTGGCAAGTCACCAAGCTCAAAAAC  
CCTTTCCTCTGAAG

>trans\_c\_5612 Novel Gene

GAAGATTTCTAGGGTTTCTGCTCTCTTGCTAGTTCGCCGAAATGACGAAGAGAACAAAGAAGGCTGGCATC  
GTTGGCAAGTATGGCACTCGTTATGGTGCTAGTTTGAGGAAGCAAATTAAGAAGATGGAAGTAAGTCAGCAC  
AGCAAGTACTTCTGTGAATTTTGTGGAAAGTACGCCGTAAAGAGAAAGGCTGTTGGAATATGGGGTTGCAAA  
GATTGTGGCAAAGTGAAAGCAGGAGGCGCTTACACGTTGAATACCGCTAGTGCCGTCCTGTGAGGAGTACT  
ATTAGAAGGTTGAGGGAGCAGACAGAGAGCTAAATTAACCTCCAGATTTTGTGTTGAGGTTACGTGGAGTA  
ATTTTGTGAGGTTATTGAGTCAGTCTTTGCCGAATTTTATCTTCTCGAACGGAAGTTGAGAAATTGATCATTTT



AAGAGTTTGAACAACTAAATGCACCAAAAGGGACAATCTTCATTCCCTATTACAGTTTCCTCCAAAAGACTT  
AGAAAAGATTGCTATTATCACGTCACTCCTCCATGAGGGTTCTTCTTTTCAGAACATCGACTCTTGCGAG  
AATTGGTTGCCGAGAAGAGTGATGAGTGCATGGCGAATGGCGGGAATATTGCATGCTTTGGAAGGAAGAGA  
AGGGCATGAATGTGGAGAAACAATGTTGAGTTTAGAAGAAGCATGGAGAGCAAGCCTTCAAATGGATTCT  
TCCTTTGGAGATTCCTTCTAATTAATCCTCCAAAAAAGCTAAGACAGCAAATTCATAGCAGAACTACACTA  
AGGGAGATTAGATAGTTCCAATTTTATATCATCTTTGCTGCTTATTGATATTTGTGGACAACACTTACAGGTGTT

GGTGTTTTATTTTTGATGCCCTTATGAACTTTGCTATTAATATAAATGGTAATGAATGTGATGAAATATTGAA  
GGAATAATATATAAATGGTAATTATTATGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5617 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds,  
haplotype: S4

TGGCTGAAGATACCGTCCAGACAGCATCGCCTATGCCTAGTTTCGGGCAACAGCCCCTCACACCACCTCCATC  
GTCAGGGTTTATGTTTCGGTTCAACAGCTCCATCTCCGCTAGGAGCAAATCCTTTTCAATTCGGTGGTAGCCAGC  
AAAATGTACCACAGAATCCCTCCCCATTCCAGGCTTCTGGTAGCTTAGACTTCAATGCCAGTGCAGGAGGGAG  
CTTCTCATTAGGTGCTGGTGGCGGCGACAAATCAAACCGAAAATACGTGAAAGTTAAAAGCAAATCAAGAAA  
GAAGTAGTAGGAATCAAGAGAGAAGGTATTCGGTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGTGTTTCTATATCCCT  
GTTATTTTTCATCTAGGAAAAAAAAATTACACTACCATCTCCGTCACATCGATGACTGGAAAGAGGAGGGGTGG  
AGGGGTAGGGTATCATTTGTCACCTGGATTGTTGATTTCGGCATGATACAGGGAAGCGTTAAAGCCAAGAAT  
TGTTGGTTTTCGATCTTCAGTTAAACGAACGGTTCGGTTGGCAAAATTTTTCGTGGTTTGATTGTGGGA

>trans\_c\_5618 AY057700|Arabidopsis thaliana At2g47330/T8I13.17 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGTAGGCCAAAATTTATAATTAAAGAGGGCGGTAAAGATTTATACC  
AGGCAATTTCTACAACCTCATAAGCTAAAATCATACACTGGTAAAACAAATTTAAACAAAATAAGGGGTTTA  
CACTATTGAGTCTAATCATACCAGATTTTCTCAATACTATTTGAATTTGAGTTTATATCTTTCCTTCAATTCTAG  
GCGTCATCTGTCCCAACCAGAGGGTCTCTTCTTCTCGAGGCCTGTCGCTAGAACTTTCTGTGTTCTTTTGGCT  
TGAATATTCTACAGGATTTGGCATGTACGAGTTCCTCTCGACACAGGAGGCGCTGGGCTGTTTGCACCATCG  
CCGATCGAACCACCAGATACAAAGCCTGATAATGTTGGCCTTTGTTTGTGTCATATTATAGCTGTTACTTGA  
ACCCTGACTTGGAGGGGGCCGATGAAGCAGCAACGAAATTGCTCTTGAAGTGTGCCATCATTCCTGTCCTCAAT  
GAATTTACAGCTGCAGATCGACTTTGAACATTGGTTGTTGAAGGAGTACTACCGCTGCCTTCTG

>trans\_c\_5619 Novel Gene

GTCGATCTCGATTCCGATGACGAAATCGAGTCGTGTTCTGCACCACAGAGTACAAGGCCATTTTCAATGACG  
AAGCAACTTCGTCAAGTTCCTTAGGCCACTGAAGCAAGCAAGAGTTGCAGGACCGATCCAATCAACCACATC  
CACTCCAGATGATGAAGCTTGTAAGCCGAGTTAAATCCACGGCTGTCGTTAGATCTATCCAGAGACTCCAG  
AATCGTCTTCCACAGACATTAACGATGCTTCCAAAATGATCTTTGGGATACGAAAATGAGCAGAGATCAGA  
ATCGTTGATTCTTCACTAACCACACAAATGGAAGGTAGCTAGGGTCTTGATTATTTTTCTTTTTCTTTTGG  
GGTTAATTTTCTCACTAATTGTCTGTCATGATCAATTAATTCAAGGATTATACCTATTATCTCAACCGTGTA  
ACCTAGAATTTCCCCCTCTATTTCCATTAGATCATCTTGTCATCATTTGTGAAGCCTGTCATGTGTAGCCAGA  
TATTAATTTACATTCTATTAACAGATTTCTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5620 NM\_128597|Arabidopsis thaliana chloroplast thylakoidal processing peptidase  
(AT2G30440) mRNA, complete cds

AACAAGATATGGCGTTAATCCTTCTCTAGGCTGTTCTGATTCTTCCTTTCTCGTCTCTGCAACCAACCTGCGTCA  
AATCCTAATCCACCTACTCAAATTTGTAATCATGGCTATTCGCGTACTCTCTCCTACTCTGGTCATGTCGCCCA  
AAACCTAGCCTCCTCCACCGGCCTTCGGGCCGGTAATTGCAGAGTCTTTCAGGGGTTTCGGTTCGATCTTGTA  
TTTTGACTCGACCCATGATCCGAAGCTCAAATCTTCTGGAAGCGCGCAATTATCGGTCCGATAGCCGGCG  
GTTCAAGCCGGGTGGCTCTGTTGAGAAGCCAATTCTATGTACAGTACTCTCGCCGGAGAAAGGGTCGGGGA  
AAGCTCTAAGAATCCGATGATGTTGGGTTTGATGTCGATGTTGAAATCGATGGGTGATTCTTCTATGATCAGT  
ACGGGGAATTTGGGGTTTCTTCGTTTAAAGCCACTTCGATTATACCCTTTTACAAGGATCGAAGTGGCTTCC  
GGTTATGATGTACGATCTGTGAGCGACGATGTGGATAAAGGCGGAACAACTGTTTGATATGATTATTA

>trans\_c\_5621 U49978|*Pisum sativum* imidazoleglycerol-phosphate dehydratase (PSHIS3) mRNA, complete cds

CACATTCGACAGCTTGCTGGAAAGAATTCTCATCATATTATTGAAGCCACGTTCAAAGCCTTTGCCAGGGCCCT  
TAGACAAGCAACAGAGTATGACCCACGTCGTCTTGTTCCGTGCCCAGTTCAAAAGGGGTTCTATCACGTACT  
TGATTTGTTGACATGAACATGCCAAGTTAAACTTGCGCATACGGGATTTTGATTGGAGCAATGTTTCATATGA  
AAGTGATCACCGCTGCTTCGGTCCAGTACGTAGATGGATGCTTGAGCAGGAAGAGTGGCAGATGGATTCTTG  
TATGGTTGATAATAGAACATGTATATGAATTTAACTGGTCCTTTAGTTTGAATCGTTTTTCGTTATATCACTG  
TTGTAATAATATTTATGCATTAGATATCTATTGCCTTCCTCTTTGAAATCATCGTTGAATAATAAGGCTCAACCT  
GCCATGGTTGAAGATTTTGAATGTTCTACTTACTATATCTTTTTTAGAACAGAAATGGCTTATCCATATGTTAG  
ACAGTTCAAAATTGTACTTCTATAACAAAATTTGATACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5622 AF111812|*Brassica napus* actin mRNA, complete cds

AGGATCCATCCTAGCATCCCTCAGTACCTTCCAACAGATGTGGATAACAAAGGCTGAATACGACGAGTCGGGT  
CCAGCTGTAGTTCACAAAATGCTTCTAAGAAGAGTTGATGCTAAAATCAACAAGCTTCTTCTACTCCCATCTTG  
TGTCATATGTCAAGTAAAGTTTGTTAGTTTTTATTTTGAAGAATTGTTTATATTTTCAAAGGAAGATCGGTA  
AGCTGGATTCTTGAAGTTGTAAGTTTGAATGCGTTTTATTCCTCCAAAAGAAAACAAAAATAATATATATAGA  
GTTTTCTAGAGGTAGGTTTTTTTTGTATGCCAACTAGTATTTGGAATAGTTGGGCTAAGTATGGACAAGAA  
CAAGACTTTTGTGTGAGTGATATTTGTTGGTTTTGAGGTCATGAGTTGTATGCATTTACACACATTGTAATA  
GGACTTCTTGATGGTATTAGCTGTGAGTTGTATCATTTTTTTTGTAAAGAGTGTTTTTGAATCTTTGAATTT  
AATTGTTATGAGTTATATAAATGTTAATGTTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5623 Novel Gene

TGTTTATTGGGATTTCTCGAAATTCAAAAACGGTCTATCTTCGTTTCAGACAATTTCAATCCGATCGTTCATCAA  
TTTGTAAGTAAAAGCTCTGATTCATTTTTAGTTCTTTAAATCAATCTTTTCATCTGTATATCGTCTAAGAATAG  
GTTGGCTACTCTGTTTTTTTCGATTTTTGAGAACTAACAGAGTTGTATATAAGTACTCTAAACCCTAAATTTCTT  
CTCATTTTTAGCTGATTATTATTAGCTGAATCTAAAGAAGTTTGTGTAAGCATGCATACTTGTAGTTCTCTGGG  
AATTTCTACCATCAAACCTTGATGATTCTTATTGGCTTCAAATCATCTTCGATGTTTGGAAACAATCGCATCTCC  
CAAGCTAAAGTACAAGAGGATCGGTAGATTTTCGAAATTAGAGCCAAATGGGTGTAAAGTTATAGGGTCTGT  
ACAGGTTGTCGATAAGTTAAGTAGGAGATGTTTTGTTTTCTAATGGTTATCGGTTGTATAAAGGTAGCAGT  
GATAGAAATAGGCATTTGATTGCAAATGTAGCTTCGGATTTAGAAAATCTCAGCTGTGATTAAT

>trans\_c\_5624 AL161537|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 37

CCCAAGCTCTCATCATCTCGTTCTCTTCCAATCCCTCATTTGTCGTTCTCTCAATCCTGCTAGCAACGACCGCG  
AAGAGCTCCGATGGATACGTGAGGAGCAGCGCTGGTTTCGCGAAGAGGAGCGGTGGATCCGCGAAGAGCA  
GCGTTGGGCCAGAGAACGCCAGTTGCTTCTGCAGGAAATTGCTGAACTTAAGCTGCAAATTCAAGCGTTAGA  
ACGCCGAAATCCGTTCAAGGAGGAACAATTCGGTATCGGAACTATTGCGAATATCGCTGGCCTGTTGCAG  
GTCTTGAAAGAGAAGAATCTGATCGCCGAGAGCGGACCGACAGTGAGTCGCATTTTGTGGATGAGAGTAGT  
CGTGAAGAGGATGTGGAGATAGAAAAGAAGACGATTGTTGAAGAAGTCGTCAAGTTTTCCGAAGAAAGTAA  
GGCGGAGAAAGAGGTGAAGAAGGAGAGAAAGTCTTTGAGAGTTGGTTCAGAAGGAGCGGAAGTCCTAGCG  
ATGCAGGTCTGCTCGACATACGCATTTCTTCTATCAAATATTAGAAGGAAGCATTGCTGGGGCTAGGATTTTAC  
TGCGGT

>trans\_c\_5625 Novel Gene

CATGGCGTTTTTAGACACAGGTAGGCGAGGAGAGAATCCTAAGGTGAGCGGGAGAACTCTCTAAGGAACT  
CGGCAAAATAGCCCCGTAACCTCGGGAGAAGGGGTGCCTCCTCACCCCTTTAATGGAAAGCGGCACATACCA  
GGGGGTAGCGACTGTTTATTAACACAGGACTCTGCTAAGTGGAACACGATGTATAGAGTCTGACACCT  
GCCCCGTGCTGGAAGGTCGGAAGGAGAAGTGTGATAAGCTTTGAATGGAAGCCCCGGTAAACGGCGGCCTG  
CCAGATAACGGTCTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTCGGGTAAAGTTCGACCCGCACGAATGGTGTACGACTG  
CCCCGTGTCTCCGACATGGACCCGGTGAAATTGAATTCTCCGTGAAGATGCGGAGTACCAACAATCGAGTAA  
CGGGACCCCGTGACCTTCACTATAGCTTCGCAGTGACAACCTTGATCGAATGTGTAGGATAGGTGGGAGTGT  
TGTCACACACCATCAACCGAAGTCCCTCAACAGAGGGATGAGCCTTCGTAAGCAGAGCAGTATTGTCATCGCA  
CACG

>trans\_c\_5626 BT025595|Arabidopsis thaliana At5g17610 mRNA, complete cds

GAGCCGAGGGAATGTGAATTTGATCAACAACAATGGAAGTCAACAATTCTTCGAAAAATTCAAAGCTTCTCAA  
CACACTCAAACCTTGATCCTTCTAGGGTTTATCTTTTCATTGCTCACTACCCATACAGTTATCGCCAAATCTCGC  
CGTCCAGTCACTGATGCTGAAACCCGGCAAAAGAAGCAGGAGTGTTACGCCGATATCGAGAGTGGATTGTGG  
GGTTGGCAATGCAGATCTTCAACTACCGAAAAGGAAAATTGTGCCCTGCGATGTCTTTCTCTACTTGTACGA  
TCTAGTTTATGGTAGTGATCCGCTCGAGGAAGGAGAAAAGGACCTTGCTAGGAGTCAAGAGTATAAGTATTG  
TATATATAAGTTGTCGATGGGGGAGAGTCTGGAGGGTATTAAGGGATCCTTTGACTACTGATATTTGTGAAGA  
TTGTCTGTGCTATTTAACTGTCTGATGTTCCATTATGCCCTGTTCTTCTGACTTGCCTTTTAACGTTTGGCTCAAA  
TTATAAGGTACAATTCCATAATCCTCCGTTCTGTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5627 Novel Gene

AATGCTTTGGAATATTCCATTCTTGTAGCAGCCACCGCTTCGGATCCTGCTCCTCTTCAATTTCTGGCCCCATAT  
TCTGGGTGTGCCATGGGGGAATACTCCGCGATAATGGAATGCACGCATTAATAATCTATGATGATCTTAGTA  
AACAGGCGGTGGCATATCGACAAATGTCATTATTGTTACGCCGACCACCAGGCCGTGAGGCTTTCCCCGGCGA  
TGTTTTCTATTACATTCCTGCTCTTAGAAAGAGCTGCTAAACGATCGGACCAGACAGGTGCAGGTAGCTTGA  
CCGCCTTACCCGTCATTGAAACACAAGCTGGAGACGTATCGGCCTATATTCCCACCAATGTGATCTCTATTACT  
GATGGACAAATCTGTTTGAAACTGAGCTCTTTATCGCGGAATTAGACCTGCTATTAACGTCGGCTTATCCGT  
CAGTCGTGTCGGGTCTGCCGCTCAGTTGAAAGCTATGAAACAAGTCTGCGGTAGTTTAAACTTGGATTGGCA  
CAATATCGCGAAGTCGCCGCTTTGCTCACGGGTGGTCACTGGATGATGTCATATAGACAATGCATGA

>trans\_c\_5628 NM\_001065206|Oryza sativa Japonica Group Os07g0100500 (Os07g0100500)  
mRNA, complete cds

TTTCACGAGTTTAGGATGCAGTGTGGAATGGAGGTTGAAATGGTAGGACCAGCACTAACAAGGTAGCCTGGA  
CCCGAGGAGCAAACATCAATTACAGGAACATGAACAATAGGGTCGCAGAACAAAGGTGTGAAGGTCGGGAT  
CTGCTGAGAGGTCTTCAGAGGCAAACGAACCAAGTGGATCTGGAAATAGTGCAGGAAAATCCACCGACGGAG  
AATCAACTAGATTTAAAGGTGATATTGGGACCGATAAGTTCGATGGTGTAGAGGCTGGTAACAGCGAAGGAA  
ATGGCGGAAGAGAAGATGCAGTGACGGATGGGATGGGAAGTTGAGAAGGTTCTTCCCTTCGCTGCAGAATT  
GAGGATGCACCCGGACACCAGCAATAGTATGGAGTAAAGAGAGGTTGAAACCACACAAGGAGCATGAGATGA  
ACTTCCAGTAATTGGAGTGGCTAATTTCCCAATGATTCCAAAAGCTTGTTGGAGATGATGGGCAATTTGAAT  
CAGCGGTTTGAGTTTCAGAATTAACACAAAATGCATCAGTGGAATTGACGATGCTACAATATGGTTGTCTAA  
AGCCAAGTT

>trans\_c\_5629 Novel Gene

CCTGCGGTGGCGCGTGAAGGAGACACACGGCGGAGTTTGCAATAATAATAAATTTCTCCTCCGGTGGGGGCC  
GTGAATAATGGGTTCTAGAGAGCGAAAGAAAGCAGCAGCAGCAGCTAATTCTTCTCATCACAACCTCTAAAGA  
ATTCGTGCATCCACAAGCTCTAGTGCTGTGGTGAATGTGGAGAGTGTAGAAAGGGGTTTTCTAATAAATGTA  
TTTTTGAAAGAAATTCACCTGGATTGCTAGTTCGGATTCTAGAAGCCTTTGAGAAATTAGGACTTGGAGTCCT  
CGATGCAGACATATCTTGTTCGATTGTTTCCAACCTCCAAGCTGTTGGAGAAGAGAATGAAGGGAGAAAAATC  
ATAAAGGCCCAAGTGGTGAAAAATGCAGTAAAACAAGCAATCAAGGAATGGAGTGAAAGTGATGGGCAGGC  
ATGAATTATATATATAAATATAGATATATATAATTACAATTATATTTATTTTCCTTTTTTACCAAACAGAATTACA  
TCACTTCTGGTGTATAAGGTAACCAAAATTTCAACTCTCTTTCAAGTGTAGAATTTGAAATATCTCCAACC

>trans\_c\_5630 NM\_125551|Arabidopsis thaliana PFK4 (PHOSPHOFRUCTOKINASE 4); 6-  
phosphofructokinase (PFK4) mRNA, complete cds

AAACGAACGCTTTCTCCTTTGCAATTCTCTTTCGATGAATTTTGGAGTTTCTCTTCTATGGACGTTGCTGCC  
ACCTCCATTCCATCGCTTCACTTCTCCTTCAAGTCCAGCGCTGCGATCTTACTTCAAGCTCCTAGATGCCGGAAT  
GTGTGTTCCGTGAGCTTATTTCCGGTTTCCGCCGTTTGGGCTAAGGATCATCTCTGTCAAAGCTGAGCAGTA  
TTCTTCTAGAGTCACGGACGATGATTTTCATCATTGAAGACGTTCTCACTTGAAGTACTGACTTTCTTCTGACTTACC  
GGGAAACATTTGTAAAGCCAGAAGATGTTGTTGCACAAAAGATTGTGGTTACGAAAGATAGCACTAGAGGAG  
TACATTTTCCGCGAGCAGGTCCTCGTGAAAAGGTTTATTTCAAGCCAGATGAGGTGCGTGCTTGTGTAGTAAC  
ATGTGGGGGATTGTGTCCTGGGATTAACACTGTAGTTAGGGAGATTGTCTGTGGCTTGAAGTATATGTATGGT  
GTTAATGATATACTTGGAAATTGAGGTATGAAATAGTTTATTTACCTGAATTTTCATTAATATTTT

>trans\_c\_5631 HM122526|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL10) mRNA,  
complete cds

AAAAGCTAAGTTGAAATTTTTAAAAAATAAAAAAAATGAAGAAGTTGTGCGAGCTGTGTGGGTGTGTGGC  
TACAGTGATGTGCGAAGCAGACGCAGCCATGTTATGTTGGGGCTGCGATTCGAAGGTCCATGGGGCTAATTT  
TCTAGTGGGGAAGCATTTGAGGGTTTTGCTGTGCCATGATTGTCAAGCCCCTACCCCTTGAATGGTTCTGGT  
CCTAACCTTGTGGCTACGGTTGCCTTTTCCACAATTGTGTTCAAAAAAAGGCTGAATAATGGGAGACGGT  
GTGAGAAAGCTTGTGGGAGCTCTAATGGCGGAAGTGCACCTAGTGGTTGTGATGATGACGACGACGACGAC  
GACGACGATGATGAGATTGAAAATCAAGTGGTTCCTTGGTTATCTTTGTCCCCTAGCTGATTGGGAATTACTTT  
TTGGTTATGTCTAATGATGTAAATGTAAATTTATCCTTTAAATTATGAGTAGGAATTTCAATTTTTGTAAAGTAC  
CATTCGATAAACGTAATGTAGAAAGTTTGAACCTTACATCTCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5632 GU137307|Solanum tuberosum cultivar Iwa snakin-1 (SN1) mRNA, SN1-a1 allele,  
complete cds

AATTGAATTTCAATCATCAACCACTGAATCTTTAGGTACATAAATTAGAATATAATGAAATAAAATAATTAAGG  
CAAATCATAAATACACATTGTTTATTATTATTATTAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCACACCAATCTCACAATTC  
AAACTTTGAAGCATTTAATATTCATATCAGACACAAAATTATTTGGTCTCATCTCCTTTCTATAGTACTATTTTA  
GGTTGGCTTATATTATTTGATTTTATAATAATAAGGGACAGACAATAAATGCAAACGGTCTCTTAAAAGTTTAA  
GGGCATTTGGCCCTGCCTCTAATGGTGTGAACATGGCTATAGCAAGGGCAATGGTGCTTCCCATAACTCCCTG  
GCACACATTTACATTTGCTGCAACATATTCTACAATACTTCATGCACCGACGCTTCAGCTTCGCTTTCGAACACC  
TCATCTACACGGTCTCGTGACCGGTCTGAATCAGCCATGGCAGTGTCCATGAAAGAAGCACTTAAGAGAAG  
GAAACAGAAGAACAACCAAGAAGCAAAAGCTGAGTTCTCATTGTGTTTTGAATTTAGATGAG

>trans\_c\_5633 AF245292|Spinacia oleracea plastid-specific ribosomal protein 6 precursor (Psrp-6)  
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

>trans\_c\_5634 AB489995|Citrullus lanatus subsp. vulgaris CitBC mRNA for blue copper protein precursor, complete cds

>trans\_c\_5635 Novel Gene

>trans\_c\_5636 Novel Gene

>trans\_c\_5637 AY108839|Zea mays PC0072927 mRNA sequence

GGTGTTCGCGGATCCGATTGAGTAAACAAAGTATGTCGAGCCATCTCAGCCGCTGTTCTCGTCGCCGCCGAC  
TCTGTCAGCCCTGCCGACGGTGGGTCGCCTAACTTCCAACGTTGAGCCGATTGTTAGTTCCTCGTCCAATC

AACAGCCTTCTCGATCGGAGCAAGTTGTGTCTAGCGAGGAACAACGAGAGGCCGAGAAAGGAAGTTCGCCG  
AATCAACACGAGGCTGCCGGAGATGACCGAGGTAGTCAAGATCAAGGAGTTGATACGGAAAAAATGGCCCC  
CGAGATCGGTGGACCAAAAGGCCACGAGCCACACGCTACGGCGATTGGGAACGAAATGGTCGGTGCTACG  
ATTTTAAACATTCGAGGTTAGATTGTGAACAAGATCTTAGGATGATATGATTTCTGTAACCAATTCGTGAG  
CTTTGTTTTCTTAATCAGAGTTATTATTTCTGTTTTCTGTAAATTCATTTCCAGTACTGTATGCGTTTCTTCGAGA  
TCGAAAGGAAATTAGAATAATAGTATTCATCGTTTCAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5638 FJ799360|Vitis vinifera pheide a oxygenase mRNA, complete cds; chloroplast

TTCAGGGCTAGCAGCCAACAGCCTCTGCCATCAACAGTTCTATCTAAACGTCAGATGCTGGACAGATTGAGC  
AACATACACTTCATTGTTTCATCATGTAAAGGTGCTTATAAAACATTTCAAACAGTACAAAGGCTCCTAATTGGT  
GCAACTGTAGTATTTTCGGCCACCGCTGGTATCCCTCCTTCTTTACAGATACGTGTTCTTCTCGCCAGTCTTGCA  
CTTGCAAGCGCCGCTTGGCTTACGCTCTGTTTGAACCTCAAAGAATTTGTGTTTCATTGACTATGTTTCATGC  
GGAGATTGATTAGAAGATACCATTATAGATTGAGAGAGAGAAATGGTTGTTTAGAGATGTAGGATTTTAACC  
AAGTAATGTATAGTATTTCAAAGGTATCATAGTTGAACAGTTCAAACAAAATTAATATGAATATATATCTTT  
TCCTTTTTGTAGGTTATGTTTAGTTGTATTCTTATTACAGCCATAAATTTGATATTGTTCAAGTTCAGTTTTATT  
TTACAACTAATGGCGTTAGTTGTTGATGTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5639 FJ459813|Momordica charantia 1-aminocyclopropane-1-carboxylate oxidase (ACO1)  
mRNA, complete cds

ATCTGAAGTGAGGAAACCCCTCTAACTTCCCTACAACCATACTTGATCCTTGAGAGAAACCGCGTTTCCTCA  
AAAAGCAGCGGTCAACGTCGGTGGCCATGGCTCGGGCAAGTGGTCGGAGCAGGAATGGGAGCGATTCCTCG  
GGGGGAGGGTTTCTTAAGGCGACCTTCAGATTCTTGAAGATGGCGGAGTTTGAGATCCTTTTCGTTCTCTTCTT  
CATCGTAGCTTTTATTGTCTTCAAAGATCTTACATCAAGACCAGAGTACAATCAAATACTTGTAAGAAGCCTG  
AGGGATTTGATATGTGGCCATTCCAGTAAATTCTCGACTTTCATTTCATGTGATCCGATTCAATACTCACTATCA  
AACTTTCTAAGTTTGTATCTTTTATGTAAAAATAACCATTGACATGTTGTCTTCTTTTGGTTGTTGATTTTTTCC  
GTAAGTTGAGGGATGTAAAAATGTTCAATTACATGTTGACAGATTATTGATGTTATCGTAAGTAGAAAGATA  
TAAAAATGTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5640 Novel Gene

TATCTTTATTGTTTGTGTATGAGTATGTAGCTATTTATTTAAATGGATTTCCTGGTTTACTTAGAGCATTACATA  
TAAAAGTTCAGCCACTTCATCTCACCTGGCGCAATTTCAATTCAGTAGGAGTTTCCATATCATCGTGGCACTCTA  
GTAGGAATGTAGGGCAAGTAGGCCACCAACAATTCATCACGCCATTACTTTATTTTCCATTAACATTCCCAT  
ATTCATCACACAACATCATACTCGGTCAGCAATCAATTCATGGTGAAATATTCACATTGAGGGCTTGTTTGGGA  
TTAACTTTCCAAGTGCTTAAATATATTTTTCGTCCACTTAGAAAGTCAATCAAACGGATCCAATCCATTTCT  
TAAGCATGGAAATATATAGTGGCATTACATACAGGATTGAAGTATGAATTGACCAAGGCTACTATCCATTTG  
AGGTCCAGTTTCAGGTGCTATCTGAAGTTTCTTTACCAGCGTTCAGGAAGGCTTCAAATGCATGGAGGTGAA  
TTGAACACCCATTAAGGGCGAAGTGGGGCGAAATGGAGATTTCGTATAATCCCCCTCCCC

>trans\_c\_5641 XM\_002888814|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SEC14 cytosolic factor family  
protein, mRNA

AAGGATTTATATTCAAAAATATTCTCGGACGAGGAAAAGCGGAACAAGTTCTTGCGTTGGAGGATTCAAGTTCC  
TAGAAAGGAGTATCAGGAACTTGATTTTCGTCCTGGAGGTATTTCTACTATGTTTCAGGTTAATGACCTCAAA  
AACTCCCCTGGCCCTGGTAAGCGAGAGCTTCGATTGGCCACCAACAGGCAGTACAGGTGCTTCAGGACAATT  
ATCCTGAATTCGTAGCCAAACAGGTATTTATCAACGTTCTTGGTGGTATCTTGTATTTTATACGATGATCGGC

CCTTTTCTAACCCAGAGGACCGAAAGCAAATTTACCTTCGCGGGGCCCTTCAAATCTGCCGAGACCCTATCCAA  
GTACATTTCTCCTGAACAAGTTCCAATTGAGTATGGTGGTTTGGGTGTTGATTATTGTGATTGCAACCCANATT  
TCGATGCTTCTGATCAAGCAACGGAAGTCTCAATAAAACCATCAACTAAGCAAAGTGTGAAATTATAATTTAT  
GAGAAGTGCATTATTGCTTGGGAGCTACGTGTTGTGGGATGGGAGGTGAGCTACAGTGCTGAAT

>trans\_c\_5642 AY951945|Triticum monococcum TmBAC 60J11 FR-Am2 locus, genomic sequence

CAATGGCTATTACAGTTACGGCTGCCTTTTCTCCACCTCCACCAAAATCTCCATCAGAATCTTGGTTGAAAC  
GGACTTTGCCAACTTCTTCAAGAAACACATCGTTTTTGCAGTCTTCTTTTGAATGCGAGTTAACCCCGTTTCTG  
TGACTGCGTCTCCCAATCACAATATGCATCCTACCGTTAAAAATCCTGATACCAACAACCTGCATCTACAGTTTT  
CTAAGGAACTGCTGTCATCTATACCTGAAGTTTAGAATAATGGAAGATGATCTCCAAATTTCACTTGGCTGTGA  
GTATGCTTCACACCCAGCTGGGTTTTGAGAAGTTTTTAAGGTCCTGAAAATATCATCCTCACTTGAGGCTTATG  
TTTTTCCTTTTTTCCCTTTTTTACATGCTTCCAGTATCAGTGCAAAAAATTACTGTAAATGGTCATTTGTAGACA  
AATCTGATCAGTTGCATGTTGTAAATGTTAGCCATTCTGTAAAGAAACAATGATGATCCATGATTTATATGGA  
AAATAAAGGAGCCATATATTACTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5643 BT011267|Arabidopsis thaliana At5g11630 gene, complete cds

AACTTGCCAACTTCGCAAGACGGTATCTGAAAAACCTAATTCTCAAACCTTTCAATGGCTTCCCGCTTTCG  
ATCTCTGGCAACTCCAACCATTTCCCTGATTAAATCCACCATCACCAAAACCTCCATTAAACCCAGACCCGCCG  
TTCCTTCACCCTCTGTTCTTCACCTACACTTTCCAGGTCGATTCCACAGTTGGGTTCCCTTCAATCTCTGCTTCT  
CTTCATTCCGCAGTCTCTTCGGCTCGACTAACCTCCTGTCTTGAATCGATTCTTGTCTCGAGGTCATTGTCA  
CAGGAATTGGGTCTCTGTGTGCCGCGAAGAGAGATGGAATTTAAGAGAATCCTCTGATTGATGTGTGGGATA  
CACGAAAGGAAGGCGAATCAAATACTCTGTTAATCGAGATTCCTCGATCTCTGTCTTTTTTTGTTTTGGTTGAG  
ATTATAACTGATGAGACAACCCAGTCCAGAACGTGTTCCCTTCCCAAATTCATTACTCATTTTCTCATAATC  
TTTGTTATCTGATTTAATATTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5644 NM\_179091|Arabidopsis thaliana PGR5-LIKE A (PGR5-LIKE A) mRNA, complete cds

TTAGCGCTCACCTTACAAATGCAGTTGTTAGAGACTCTTTGATCCTGAAGGGACCTTGTCGAACTGTGGAAC  
TGAGAATGTCTCCTTCTTTGGCACCATACTATCAGTTTCAAGTGGTGGCAACACAAACAATATCAAGTGCACAA  
ACTGTGGAAGTGAGCTGGTTTACAACCTCAAAACCCGACTGATCACGTTACCAGAAGGAAGCAACGCCTAAG  
TGAGAGGAATCGTTAACTGTAATTCCGGGAGAAACAAGACCAAGGGATATCATAAGGTATTGCAAGAATTCT  
CCATGGTTGGATATGAATGATATTAAGATATTTAAACCTGCCTTGTAGAGAGAAGATTTTTCCAGCTGTTGT  
ACAACATTGTATCTTGGTGTAATAATTTGTGAATACTCATCATGTATAAACGATACCTAGAGAAGGGTGTGAT  
GAAGTTTCAAAATGCCATCCAATAAAACATAATTCATGTATGTAAATCATCAATCTAGTTGAATATTTCAAGAA  
TTTGAGTAGAACGGAAAGGAAAAGTATGTCCTTTGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5645 Novel Gene

AATCTCCATTACCCTACCCTTCCATCACCTAAGATTTTGTGTTTGGTGCTAAATTTCAAGAGCTCATAGGAAGAT  
TAGTGCTCTTGAATATGGTTCTTGACAGCATTCTAGCTTCTCCCATAGGAGATCCCATCATTCAGAAAGCAG  
TTTCCTGCAAATGAATTGGGCAGTTGGTCTACTCTTCAAGCGGCATCGCTTCTCTTAACCGCTCTAGCACTC  
TTAACTTTCTTTGCACAATCTATCTTTACTTTGCTATCACTTTGGGGGCTACGGCATCGTCTTGTTGGGTTTG  
ACTGGAACCTCAAAGAGAGTTGTGCCGTCTGGAGCATGCTAAAGCTTCTTTGGCTAACGGCAAATTTAAATTC  
TATGATACACACGTAGGGACTTCAAGGTACAAAACCTTCTCATGTATTGGTTCTTCTCTTTGGTGGGATTTGTA  
TTTATAAAAAAAAAAAAAAAAAATCGATGATTACTATAGATAAAAAGTTCATTCATCCATTTTGATTCATACATATAA  
CTTATAAGATGTAGCAGAATGTTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA



>trans\_c\_5646 AY323417|Actinidia deliciosa cultivar Hayward PSII D1 protein (psbA) gene, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

CATGCAAATAATATCCAAATACCAAATTTTCCCCCTATATACCCTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGAAGA  
TCAAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTAAAGAATTCTTCCAATAATTCCGAATTTAACCTTTTAAAAAGAGCA  
CGTACACATGAAAACACAAATGCTCGGTTTCAAATTGTGTTCTAAGGCGAAGTATATATTGCCAAGCAGCTA  
GGAAGAAATGTAAAGAACGAGAGTTGTTGAACTAGCATATTGGAAGATCAATCGGCCAAAATAACCATGAG  
CAGCTACGATATTATAAGTTTCTCCTCTTGACCGAATCTGTAACCTTCATTAGCAGATTCATTTTCTGTGGTTTC  
CCTGATCAAAGTAGAAGTTACCAAGGAACCATGCATAGCACTGAATAGGGAGCCGCCGAATACACCAGCTAC  
ACCTAACATGTGGAATGGGTGCATAAGGATGTTGTGCTCAGCCTGGAATACAATCATGAAGTTGAAAGTACC  
AGAGATTCCTAGAGGCATACCGTCAGAAAAGCTTCCTTGACCAATTGGGTAGATCAAGAAAACAG

>trans\_c\_5647 EU331154|Arachis diogeni 60S ribosomal protein L1 mRNA, partial cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGATATAAAGCTGCACTCATCTGTAATTCGGTTTAACTAAACAAAGAGA  
AGCAATCTAGATAAAAACGGGAGAGCAAAACGGCAAAAGTTAATTATCTATGTTATTTCACTCTTTGTTCTCCC  
AAATTACTTCTCTTCATAAACGCAATAACAATCAAAAGCAAGAATAACAACCTCTTAACAAAATAGATTAACAA  
AAGTAATTAAGGTCTATGAGATTTTTCAATAAAGAAAAATGAAATTACTGGGAAACACCAAGCCATTTTGAGA  
AGTTCTCAAACCTCTGTGTAATCACTGTCTGAGATCATCGTCTGATACCAAGCCTTCTGCGGCTCTGATAGCA  
GTAGCATCCTCTTTGTAGTCAAATTCCTCTTCTGTGCGAGTTTCTCCTTTTGTAGCTTAAACACGTTGCTCCTCTG  
CCAAAAGAGCCATTCTCTAGCAGTCTTAGCATATGGGTAAAGCTTGAGCATGGCGTTCAAGTTCTTCAATGG  
GTTCTTCTTCAATTGAGGTCTCTTAACATTCTTTTAATTGGCTTCACAACAGATTG

>trans\_c\_5648 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

TTAATCGACGCAGGGTGAGTCGGTCCCTAAGGCGAGGCTGAAGAGCGTAGTCGATGGGAAACGGGTTAATA  
TTCCCGTACTTCTAGTTACTGCGATGGGGGGACGGAGAAGGCTAGGCCAGCTTGGCGTTGGTTGTCCAAGTTT  
AAGGTGGACTCACCATGAAGTTGGGGCTTTAGATGTGGATAGAATTGACCTTGTTTGGGAGGCAGCACTAAA  
ACATGGCCTAAAACAGTCTCCACCAAATGAAAATATAAAATCAAATAAATCTTACCCTTTTTCTTTAATCCCT  
TCATTGCATTAAATCAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGTAATTACAAATATGATTTGGTATATGT  
GAACTAGAACCAGTGAATTGAAGCATTAAATTTCAATATTGCAAAGCCCTTTTTTGTCTTTGCATCATGTTATT  
ACTTACTATATATGTGTGTGTTTTGTCAACAAATTAAGAATTAAAGAAGTAGATGATTATTCTCAATACTTGT  
AATTTGGATATTCACAGTTTTGTTTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5649 XM\_002890218|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata immunophilin, mRNA

TTGTGATTGATCTGAAGGGAAAAGTACAAGGAAGTGATGAAGTATTCGTAGATACATTTGGAAAGGAAAGAA  
AGCCACTGGCTATGGTGATGGGCTCAAGACCTTACAGCAAAGGAATGTGTGAAGGTTTGAATATGTGCTGA  
GATCCATGAAATCAGGTGGTAAGAGGAGAGTTATAATTCCTTCAAGTTTGGGGTTTGGAGAGAATGGTGCTG  
ATTTAGGAACTGGGTTTCAAATTCCTCCATTTGCAACTTTAGAGTATGTAGTTGAGATTGATAAGGTTTCCATT  
GCACCTGCTTGAAGTATCTTTGATGCACATAGCTAAACCATAGAACATGTATTTGGTTCAATTCTTCCTTGCA  
TTCCTTTGTAATTCATGAAAATATAGAGAAAGGAACACACCACAAGGAGGATCCTTTCATTAGCTTTCTAGCTA  
TCCCCTCGAACTCTGCAATATGGTTTGGAAATAATTAATACATTCTATTGTTTTCTGTTATTTGTAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAATATTAATAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5650 EU717678|Litchi chinensis GAST-like protein mRNA, complete cds

ATTTTCTAACCCTTTCTCTCTTCATCTTCATACCATGGCAATTCCTAAAATCATCCCTTGTCTTGTGCGATGTCTC  
TTCTCGTTCTTTGTTTTGTTGAAGCTGATGACATGGTTGTTGGTGTTCAGCTAGTCCCACTTTGACTCAAAATA  
TTAATTGTGGAGGAGCTTGTGCATCGAGGTGCAAACTATCTTCAAGGCCGAACCTGTGCAAGAGGGCATGTG  
GCACGTGCTGTGCACGTTGCAGCTGCGTGCCGCCGGGCACTTCCGGAACTATGGGGCTTGCCCTTGCTACGC  
GAAACTGACCACTCACGGCGGCCGGCGAAAGTGTCTTGAGTTAATTATTTCAATTATATAAAAAAGTTACTGT  
ATTGAAAAGTCCGTCATAATTTCCCCCATGCAAAGGTCTCTGTTCTGTTTTCGTTGTCGTCATCTTCAACCTTTC  
TAAGCTTTGATTAATAATAAAATTTTCAAAGAGTGTTTAATATAAGGAATTTATGTAAAATAAAGTTTGTATAT  
GGGAGAAAAATCAGATATTTTTTCCCTGATCTCTTTGTTGTTTTCTTTCCCA

>trans\_c\_5651 HM462002|Gossypium hirsutum MFP mRNA, complete cds

AAATGATGGCGTTGCTTTGATCACCATGTCTAATCCTCCTGTTAACGCTCTAGCAAGAAGCATGTTTCCTGCCTT  
GAAGTCGAAATTTGAGGAGGCGATGAGGAGAAATGATGTGAAGGCTGTTGTTTTGACTGGCAAAGGAGGAA  
GGTTCTCTGGTGGGTTTGACATCAATGTTTTTGAGATGATTCACAAGACTGGGGACACATCTCTCCTACCTGAT  
GTATCTGTTGATATTGCAGTCAACACAATGGAAGATGCCAAGAAGCCAATTGTTGCTGCTATCGAAGGACTTG  
CTTTGGGGGGAGGGTTAGAGATGGCTTTGGCAAGCCATGCACGTATTGCTGTACCTAAAGTTCAGCTTGTTTT  
ACCAGAGTTGTGCTGGGAGTAATTCAGGGTTTGGAGGTAATCAACGACTTCCCAGACTTATAGGTCTACCA  
AAAGCTATAGAAATGATGCTGTTTTCCAAAACAATCACGTCTGAAGAAGGAGAGAAGCTTGGTCTTATTGATG  
CTGTTGTCAGTCCAAATGAGTTGATGAAAGTAGCTAGAAAGTGGGCATTGGATATTGCTGAAAGAC

>trans\_c\_5652 NM\_001186098|Oryza sativa Japonica Group Os02g0564200 (Os02g0564200)  
mRNA, complete cds

GAGTGGACAATTTGGATCTCTATACTCGAAGAAGGAAAAGGAAATCAGAGCAAGCAATCTTCAATGGCGAAT  
AAGCCTTTGGGATCGACGGGAGAGTTCTTCAGGAGGAGAGATGAATGGAGGAAGCATCCCATGCTTACCAAT  
CAGTTCCGTCATGCCACTCCTGGCCTCGGCATCGCCCTCGTTGCTTTCGGCATCTACCTTGTGCGCGAGCAAGT  
TTACAACAGGATCAATTCTCCCTCGTCTTCTCACCACCACCATCCGATGCATCCTCCGCCACCCATTAACCTCTA  
CCGATGCATTCTGTTAGGTGAATCCAAGCTTGGAGTTCTACAGCACTCGTTCTCTTTTACCTCTTTTTTTTTTT  
TTTTTTTTTAATGTGCAATAAAAGTAAAACTTTTGCTGGACAAAACACTCGGAGCTTGTGAATGTTCTTGATG  
AGGTTGGGATTGAAATTTCCATCACAACCTGAAATGTTTAATTCTATAATCTAGTGGTTCTAGCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5653 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

GTTTAAGAGACTTCTTGGTTCATCATGCTATTGCTTTAGGTTTACATACAACCTACATTGATCTTAGTAAAAGGTG  
CTTTAGATGCACGTGGTTCCAAATTAATGCCGGATAAAAAGGATTTTGGTTATAGTTTTCTTGCGACGGTCCG  
GGACGAGGTGGTACTTGTGATATTTGCGCTTGGGACGCCTTTTATTTGGCAGTTTTCTGGATGTTAAATACCAT  
TGGATGGGTTACTTTTTATTGGCACTGGAAGCACATCACATTATGGCAGGGTAACGTTTCACAATTTAATGAAT  
CTTCCACTTATTTGATGGGATGGTTAAGAGATTATCTATGGTTAACTCTTCACAACCTTATCAATGGATATAATC  
CTTTTGGTATGAATAGTTTATCAGTCTGGGCATGGATGTTCTTATTGGACATCTTGTGTTGGGCTACTGGCTTTA  
TGTTCTTAATTTCTGGCGCGGATATTGGCAAGAATTGATTGAAACAAATCGTACCCGAGTGGGGCAATTGTC  
ACTGCTTATGGACCCGAACCTGGGTGATCTATCCATGACCAGGATGAAGCTTGGGTGA

>trans\_c\_5654 NM\_001073114|Oryza sativa Japonica Group Os12g0284000 (Os12g0284000)  
mRNA, complete cds

ATGGGTGCCTGGGTCATGGGAATGAGGAATGTGAGTCTTCCCTAAGGTGGTGGGAAGCATTAATCAATGTCA  
AGGCTGTTTCATGTTGCTACAGGAGATTATACAACATTCGTAGTATCTGATGATGGTGACGTGTATTCTTTCGGT

TGTGGAGAATCAGCTAGTCTCGAGCATAACGTTGTCGTTCCCGAGGAACAGGGGAATCGACAACCACACGTT  
CTAAGCCCAGAACTAGTCAGGTCCCTGAAGCAAATTAACGAACGGGTAGTTCAGATTAGCCTCACTAATTCAA  
TTTACTGGAATGCACACACCTTTGCATTGACAGAGTCAGGTAAGTTATATGCATTTGGTGCTGGAGACAAAGG  
ACAGCTCGGGGTTGAACTTGCAAATCAAACCGAAAGGGGAAATCCAGAGCGAGTTGACATTGATCTAAATTA  
ACAAAAAAGAAAAATTCAATACTTTCTATATGCTAATGGTTATGCCATTGCATTTTAATCACTAGATTTGGCA  
AATGATATTATTAATTTGTAAATAGGAAGGGAAAAAAACGAGGGAAAAAAATTGTGAATGGTTTTAT

>trans\_c\_5655 U58971|Nicotiana tabacum calmodulin-binding protein (TCB60) mRNA, complete  
cds

TGTGAAGGTGTACGTATTCGTGAAGCAAAAACTGAAGCTTTTACAGTTAAAGATCACAGAGGAGAATTGTATA  
AAAAACATTACCCACCTGCATTAAACGATGAGGTGTGGAGATTGGAGAAGATTGGAAAGGATGGTTCCTTTC  
ACAAGCGTCTTAACAAAAATGGAATATTCCTGTTGAAGACTTTCTCCGAATGGTGGTTCGAGATTCCTCAAAA  
GTTACGGAGTATCCTTGGTAGTGGTATGTCAAATAAAATGTGGGAGGCTCTCCTAGAACATGCTAAGACCTGT  
GTCCTGAGTGGGAAGCTGTATATTTATTATCCAGAAGAAACGAGAAATGTTGGTGTGTTTTTAACAATATCTA  
TGAGCTCAATGGACTGATAACAGGGGAACAATACTTTTCTGCTGATTCTCTGTCTGATAGCCAGAAGGTTTAT  
GTAGATACGTTAGTGAATAAAGCATATGAAAATTGGAATCAAGTTGTAGAGTACGATGGCAAGTCACTTTAG  
AGCTCTAACCAGCTAATAAGTCAAATTCATCCCGAAAGGACTTTCTTGGGGGTCATCTTGATCTTT

>trans\_c\_5656 DQ011883|Arachis hypogaea subtilisin-like protease mRNA, partial cds

ACATCCCTGGAATCTCAACAGCCCATCAATTACCATCGCCCATCTCGTGGGAATAAAATCGTTACTCGCACTG  
TAACAAATGTTGCCGAAGAAGAAACCTATACAATTACTGCAAGAATGGACCCTGCTGTTGCCATAGAAGTGAA  
TCCTCCAGCAATGACTTTACGGTCTGGTTCATCAAGAAAATTTTCAGTAACTCTCACGGCTCGATCACTGACAG  
GAACATATAGTTTTGGCCAAGTTCTACTTAAGGGCAGTAGAGGACACAAGGTTAGAATACCCGTTGTACCCAT  
GGGATACCAACGATGAGTTTGGTTTTGGTTAATTCAGATAAAGAAAAAGGTACAAGTTTTATTATCGGGTTGT  
AATATTCTTTGTATGTGTTGGAATAAGCTAAATAGGATCTCAGATGTAATAGGTCTGAAATATGAATGTGGCT  
GTAAAGATCAACTCAGAACAAGGGAGGAGGCTACTGGTTTCTTCCACCTAAGTTTTCGATTACTAATTTGTTTA  
GTAATACAGTTAGATTTTTGCATAATGAGTTTTCTTAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5657 AY527167|Citrullus lanatus var. lanatus voucher PI179881\_1 NADH dehydrogenase  
subunit F (ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

AAAAGGATTCCCTCCCCTTCTTCGCCGGACAAAATCGATGAAACGGAAGAGATCCGAGTGAATGGAAAGGAAA  
AAACAAAGGATGAATTCCACTTTAAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAAACTTCTTAC  
CCTCCGGATGGAAATAAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTTCTGTTTGAAA  
AACCTCTTGTGACTATCCTTTTCGACTATAAACGATGGAATCGTCCAGTTCGATATATAAAAAATGATAAATTT  
GAAAATGCTGTTAGAAAAAAACAAAGTAAATTAATAATATAAACTAACTAAATAAGCTAAATACAACAAGAT  
ATAAGACGAGATTCGACCACCTCCTACATATTTAATACTTTCTGCTACAAAAAAATTAAGAATACCCACCGCAT  
TGATAATTCCATCAATTATCCGTCGATCAAAAAAATAAGTTAATTCAGCTAATATTCTTATACCCCAATTAAGG  
ATATTGATAAAAAAGCATCTATGTAACCACGATTATATGACCAATTATATATTATTTATA

>trans\_c\_5658 GQ997244|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 photosystem I P700  
apoprotein A1 (psaA) gene, complete cds; chloroplast

CAATTTCTAAATGCTGGAGTAGATCCTAAAGAGATTCCACTTCCTCATGAATTTATCTTGAATCGGGATCTTTTG  
GCGCAACTTTATCCTAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCATTGTTCACTTTGAATTGGTCAAAATATGCGGAATT  
TCTTACTTTTCGCGGAGGGTTAGATCCAGTAACCGGGGTCATGGTTAACCGATATTGCACACCATCATTTAG

CTATTGCAATTCCTTTCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACCAACTGGGGCATTGGTCATGGTATAAAAGA  
TATTTTAGAGGCTCATAAAGGTCCATTACAGGCCAGGGCCATAAAGGACTATATGAGATCCTAACAACGTCA  
TGGCATGCTCAATTATCTATTAACCTAGCTATGTTAGGCTCTTTAACCATTTATTGTAGCTCACCATATGTATGCA  
ATGCCCCCTTATCCATATCTAGCTACCGACTATGGTACACAACCTTTTCATTGTTACACATCACATGTGGATTGGT  
GGATTTCTCATAGTTGGTGTCTGCTGCGCATGCACGGCTGGGCTCGCGCAGAGACATAG

>trans\_c\_5659 XM\_002871991|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata HCF136, mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAATGTAATTCGTTGTAGGATTATACTACTGAGTTATCATGCAG  
CCAATAGCCATAAGTCTAAAGATGAAAAGCATACATACAATGTTCAAGGCTTGTGTAAGTGGTGGGAGAAGG  
GGAAAATGATTATTTTAAAGGTCAAATAAAACCACAATGCAACTCTAAACCATTTTCATATTTTCGTTAGC  
ATGGCTTGACTAGAAATGAAAAGGACCAACTTTACACACCCCTGTCCCTTTACTAAGAAAAAGTCCTCCTCCCC  
GCACAAGAAGCCAAAGACCACCATCAGCTCTCACCCCATGTTCTGAATCCTCCTTGAATCGCTCTATTATGT  
GGCTGCCAGAATGGCTGCCAGGCTCCAGGTGAGGTAGAAGTTACCACGACTTGAAACAGCTACATAACGC  
CCATCTGGAGAGCGATTTACTGTGTTAAAGGTTCCAGTATAATAGCTTGCCCCACTTATACCACTAGAACTGT  
TCTATTAAGAGTGGCAGAAACAGTCTCCTGAACTGCAGCCTTCCAATTATATCCCTTGTT

>trans\_c\_5660 AY103695|Zea mays PCO065803 mRNA sequence

AGGGTTTTCTGGTTTCCAATTTACCAAATCTTCTTTTCGGAGATCTTGTGGTCAGTCAAGCAGCAATGACGAA  
GAGAACCAAGAAGGCAGGCATTGTTGGAAAATATGGTACCCGATATGGTGCCAGTCTGAGAAAACAGATCAA  
GAAGATGGAAGTCAGTCAGCACAGTAAATACTTCTGTGAGTTCTGTGGAAAGTATGCAGTTAAGAGGAAGGC  
AGTTGGAATTTGGGGTTGTAAAGATTGTGGTAAAGTGAAAGCTGGTGGTGCCTACACTCTCAACACTGCTAGT  
GCTGTGACAGTGAGAAGCACTATTAGGAGGCTGAGAGAGCAGACCGAAAGTTAAGCCATCTTCACTGCGTAT  
TTTCGCCCTCTTGTATGGAAAAGATTGCTCCCTCACTACACTTTTCTTCATATCGGTGTTGTAGGAATTGGTT  
ATTTGAAGTTAATTGAAATTGATCCCTTTCTTCATTTCTTATACCGTTGGCCACTTTTCTATTGATCGTCAATGGA  
GTTTTGCTCAAGTTTACAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5661 AY108844|Zea mays PCO129644 mRNA sequence

TGAAGGCTCCGGAATCTGTGCAACAAGATCTCGAACATGTCATTGACTGGAGCAGAGAGGAAGTCGGCCA  
AATACCTCCTCAGAGCCTCAATAACTACGAGTCTGCAGTTGGCGATTCCAATATAAAGACCGCTCCACATATT  
GAAGCCTTTCCTCCCGCATTTACAGGCGAGCCCTCGGAATCCCATTTGTTCTAGACATTGCATTCAACTTCATTGAC  
TTCCCATCTCTTGAGAATAGAATGAAAAGGACAGAAAGGGCTTTATCAGTAGGCTATGGGGATGAGTTCCTT  
TGGAATTTTTTTTTTTCACTTAAGGTCCTCTCTTTTCTACACAGTTTTTGTCTGAGACCACGGTTTCCATCCT  
TTAACAACCTTCACGGCCCCCTTCGCTCGAATTTTGGCTCACAATTACAAAACAATCACGTGTTTATTTTTTGGTTT  
CTCGTGGAAGTATAACAGACATATAATTCCAAAATTCAGGATTTTTCGTAGAAACCTACTTGTGACTAGAGAA  
TACACATTTGTTTATCTTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5662 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f  
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

TTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATATTCTTCTTCTGTCCCCGGGGCGGATGGCGGGGGAC  
CGCCGCTTTGAAGGGAATTCTTGAAGAGAAAAATGGATTATGGGAGTAACACCCCCCACTATTGATTGGACC  
GTGTAGATATATGTCTTTTATCTGCCACATTGGGATTCACAACAAAATGTGTCTTTATTCCAACACCGCGAAA  
GCTCCATACAGAGGGTAGGCTGGTTCGCTTGAAGAGAATCTTTTCCATGATCAGACTTGACCACACTACATGC  
AGTTGAATCTTACGGAGCTTGCCGAAATAGGTGATATATATGCCATAATACAGATTATGTTTTATCTATTTCACT  
TACTTAATAGTATGAAAATGCATTCATTTCTCTGCATTGACTCGATTTATAATACTATCGGAGTGAAACAAGG

GATCTAAAGAAGAACATAGGCTAGACTCTATTAGTAACAAGTAAATCCTTTGGATGTAGGGGAGCGACCGCG  
GGGGTTTTTAGCCCTAAAACGATACCTTTGGTCTCATCAAACCTCCCTACAGGTCCACGGCG

>trans\_c\_5663 NM\_110977|Arabidopsis thaliana MTO1 (METHIONINE OVERACCUMULATION 1);  
cystathionine gamma-synthase (MTO1) mRNA, complete cds

GAAGCGCACCAGATTGTCTTTTATTCCATACTTGAGCCTCTCTGTTTGGTTAAGATCCCAATATGACATTATTGC  
TGGCTGGTCTATGATACTCTCACACCCACCAAATGATGGAGCAATGTATGGAATTTTAAATGAGTCAATGAATT  
TTGCGGTGGTTGTTAAATCGCCATCAACCTCGAACTAACTACACCCCGAAACCAGTCATCTGCCTTTTGGCA  
AGACTATGTTTCAGGATGACTTGGAAGTCCAGGGTAGTAAACACATTTGATCTTAGGATGAGCCTCTAAAAGCC  
TCGCCATCTTAAGACCTGATGAATTTTGTCTGCTGAACACGAAGATGCATTGTCTTCATGCCTCGTATGATTAAG  
TAAGTGGCATTGTTGGTTTAAAGCACCACTATCACATGATGAAGATTCCGAATCTCTGAACTAGTTTCAGAG  
GACCACTTATACAACAGCAAGGACATCATTGTGGCCCCAATATACTTGGTTGCGGAGTGAAGAATTAGGTC  
AGCCCCAAGTGAAGTGCCTTCTGGTTCAATGGTGTGGCAAATGTACCATCAATGCACA

>trans\_c\_5664 XM\_002889828|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T23J18.22, mRNA

GAAAACCAACGTTATATTATATAAGAGAAGAAAAGGATTTATATTGTTGGTTTTGTTGGAGAGAATAAGAGA  
GATGGAAGAAGAACAGGGTGATATAATTGGGAAGGCTTTTGTGGAACATTATTACCATTGTTTGATAATGAA  
AGAGCTTCTCTTTCATCTTTGTATCAACCTGATTCATGCTCACCTTGAAGGCCAACAAATTTAGGTGTCAAT  
GATATCTCCACAAAGCTTCAGCAATTGCCATTGAACGTTGTCGACATGTCGTTAGCACCATAGACACGCAGCC  
CTCCTCCGTCCCTGGCTCCATCCTCATCTTCGTCAGCGGTAGCATTGAGATACCCGAAGAAGAACCCCCACTCA  
GATACAGCCAGATGTTTCACTTGGTACCATCACCACAAGGCAACCTTTTTGTTGAGAATGACATTTTTCGCCTCA  
ATTATGGTTAAGTTCGTTCTGTTTTCTTTTCTTTTGTATTTGAACACACAAATGTTGTAATTTCAAAGATTTT  
TATTTGTATTTTGGCTTCTTATTTAAATATACATCATTCTAGTTTCTTTTTTAAA

>trans\_c\_5665 NR\_022067|Arabidopsis thaliana (AT1G11185) otherRNA

AACCAACTCTCATTCAAAAACCTTCACTTCTCACAATATTTAACATTCTAAATCCTCCACTACTCATGGCCGGT  
CACAGAAGCGACTACATCACGGCGCGCCGCTACTCTCCCAGGGCTTCTGCCCGTCCCATTCCCAAGCGAGGAC  
AGGTCAAATTGGGGATTATGGTGGGTCTTGCCACACCGTTGCCTCTATCTTCTACCCACCACTCGTCGGACC  
TAGACTACAAGGCGGCCAGCGGTGGCTCTCACTGAACCGCCGCGCCGACCCGGCTCACCCTTTTTTCTTTT  
TCTTTTTCCCCTTTTCATGAGTTTGATGATGGAAGAGAAGAAACGGCATGGAGAGATTGGAGAGTCTCGGAGC  
TGTTTTGGTCTCTTTTTGTAAAAACAATTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTCAATTAATGGG  
AAAAAATGGAGATTTCTTCTCTATTTATGATTTTGTGCTCTTAGTTGTTTAATTCTTCTTTCTTAAGTATAATA  
AATTATACAAATTAACACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5666 EU809511|Garcinia mangostana AG-motif binding protein mRNA, complete cds

TGGCCCACTCACTCCGAGTCACTACCCGGTCCGACTCGGTATTCTCCGCCAATAGCAACTCCGATTTGTCGGC  
AGAGCTCTCTGTTCCGTATGAAGATATTGCTCAATTGGATTGGCTTGCAAACCTTTGTTGAGGATTCATTCTGTG  
GTGGAAGTCTTACAATGAACAAAGAAGAGCCCAAGGATTTGACACATAACCAATTCCAAACCTCTAGCCCAGT  
TTCTGTTCTTGAAAGCAGCAGCTCTTGCTCTAGTGACAAGACCCTGCAGCCCCGTAGCCCTGAACCAACCGTCG  
CCACTCCTGGTCAGCAGCGTGGCCGTGCACGCAGCAAACGCCCTCGCCCTGCAACCTTCAATCCCCGGCCCCC  
AATTCAGCTTATTTCCCCTGCTTCTCTGTACCGAAACAACCAACCCCTGATCAAACATTGCAGCTTGTTCCAAA  
GGCCCCATCACACCCGAGAACTTCGCCGAGTCCCGGCTTCCGTCAAATTACCAAAGCATGGTGCTGCTGCC  
TCACGAACCCATAATAATAACAACAAAAAATCAAGCTGTCTTCTCGCTTGCCCCC

>trans\_c\_5667 AY263347|Glycine max protein kinase Pti1 (Pti1) mRNA, complete cds

AAGCCCGTTGATCATACCATGCCTCGTGGTCAGCAGAGTCTTGTTACTTGGGCTACCCCAAGACTAAGTGAAG  
ACAAAGTTAAACAATGTGTTGATCCAAGGCTGAAGGGTGAATATCCCCCAAAGGAGTTGCCAAGCTGGCCG  
CTGTGGCAGCTCTGTGTGTGCAGTACGAAGCCGAGTTCAGGCCAAACATGAGCATCGTCGTCAAGGCTCTCCA  
GCCGCTTCTAAAGCCACCTGCCCTGCTCCGTTGTGGAACCTTGAAGTAAATTGATATCCGTTTTCTCCCTCTC  
TGTTGATATATATGTCAGCGCCTACATTGCAATGTTTGCTTTTCATGGTGACCATATAGAATTCATAATATTCATT  
ATTTATTCCAATTATTATTGTTGTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAACCCCCAAAAAACCCCTCCAACACTTCCCTTTAAGAGGGGGCCCGGCCCAACCCCCC

>trans\_c\_5668 XM\_002890866|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata integral membrane HRF1 family protein, mRNA

AGATTCAAAGACTCCAAAAAGAAGAGAAAAAAAAAAGAAAAATCTGCTTCGCTCGCTTTCTTCTCCCTAAGC  
GCGGCCTTCGCCGAACCTTTTCGACCTCTCTCCACCGCCTCCACTGCGAAGCCCTCGCCCCCGCCCCGTCTT  
CCTTTTGGAACCTTCACCACTTGATCTTCCCTCGCTCGTTTTTCTTCACAGGAATGTATAATAATGTTGAAG  
CCCAGCCCGCAGCTCCAAAGCCTCCATCAAGCTCTCAGCCAAATCCATTTGGAAATGCATTTTATGGTGCTGGA  
TCTGGACTAATTCGAGGTGGATTGGGTGCATATGGAGAGAAAATATTTGGGTCAAGCTCAGAGTATGTTCAA  
AGCAATATAAGTAGGTACTTTTCAGATCCCCAATACTACTTCCAAGTGAACGACCAGTATGTTAGAAATAAATT  
GAAGGTTGTCCTATTTCCATTTCTACACAGGGGCCACTGGACACGAATAACTGATCCAATTGGGGGCAGACTA  
TCGTATAAGCCACCAATTTATGATATCAATGCACCAGACTTGTACATTCCATTCATGGC

>trans\_c\_5669 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTGTTAATCAATGATTTCATTTGTAAGTGAATCAATATCA  
ACTCACAAATGTGAACGCAGATAAAACAACAACTACATGATTTCATTGGAATATCTAAGCACCCTAATTTAT  
CAGTTCATACATTTACAATCCGCTTAGAGCAAGGGGGAAATCAAACAAAAAATTCGTTACTCTATTCTCAGCT  
TTTCAAATTTCTCCTCTATAACCGCTGATCCAAAATAATCTCTTCTTGAACCTTGAATTGCCATGCTTTTCTGG  
TGCTCTAAGTGGGGCAGTCACGGATACGGTGGCCAAGTCCACCACAATATGCGCAACCTTTGACACCGCTTG  
CATTCGTGATCGCTTCCACATCCTCCATTGGGTCATTGAGCTCAGCCAACACTGGTGGAATCCTCTGTTTGGCT  
TCTTGACAAGGTGCTTTAAATCAAGGAGAGTTGTTTCGCTTTGATTCTTGTATGAATGTTGTTGCAATTCCT  
GTCTTACCACATCGTCTGTTCTGTCGAATCCTATGAACATAATTTTCAATT

>trans\_c\_5670 NM\_102728|Arabidopsis thaliana glycyl-tRNA synthetase / glycine--tRNA ligase (AT1G29880) mRNA, complete cds

CACTCTTACTACATGAGGCCAAGCAAAGCAGGGGATGAACAATTAATGTATTTAGATTTCTCCCCTTGTGGC  
ACCTATCGAGTGACAGTTTTCCCACTTGTTTCAAGTCAACAGTACGAGGAAGTTGCTAAAGTTATCTCCAAGT  
CATTAACTTTTTCTGGCATTTCCTATAAAATTGACATCACAGGCACATCAATAGGAAAACGATATGCAAGAACA  
GATGAGCTTGGTGTTCCCTTTGCAATCACTGTGATTGAGCATCTTCGGTGACAATTCGAGAGAGGGATAGTA  
AAGATCAAATTCGTGTGAGCGTGGAAGAGGCAGCCACAGTCGTGAAAGATGTTACGGATGGTCTGAGAACAT  
GGGAAGATGTATGGTCTACATTTCTCATCACACCTCTGCATCTGCAGAAGATTGATTGAATTAACCTATAGCA  
GGTCTCCAGTTTGATTAATTTTGCTATACATTTGAAAGAAAACAGCATTGGATACATTTGTAGTTGATTCA  
GGACCTTCTCTTTATCTATAAAAGCAATTACAATCAATAGTACTTGGAAGATTCTTT

>trans\_c\_5671 AY093996|Arabidopsis thaliana AT5g49830/K21G20\_4 mRNA, complete cds

TCATGTGTTTTGCTGCCCCAAGGTCGATACTTATCCCGGAATCTGCACAGAGTTGTCAATGAGATCATATCAAAA  
GCAATGGCTGCATTTGCTACAACAGGAATCGATCCAGATAGTGTACTACCGGAAGATGAGTGGTTCAATGAT  
GTTTGTCAAGATGCAATAGAAAGATTGAGTGGAAGGCCAAAGGCTATAAATGGGGACAGGGATCCTAACAG  
TCCAACAGCGTCGGTTTCAGCACAGTCGATTTCTTCTGTTAGATCTCATGGGAGTTCTTAAGAGTCACAATTC  
TCTTTCTTGTAATTAGACCATCCAAGTTCTTCTAGTGGATTGGATTGTGAGCATTGATCTGTCAATTACGCC  
CATATTCTTTGAATCTTATCACTTTCCTGTTTCTATTTTAGAGGCTTCCCTACTTTTGTACTAGATAAATTTGCAC  
AGCGATAGCTTGGCATGAAGTTTTTGACAAGCATCTAGTTTGTAAATGATGGTGAACGAGTTGTTTTGATATT  
ATATATTTGTCCATTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5672 NM\_125450|Arabidopsis thaliana kelch repeat-containing F-box family protein  
(AT5G60570) mRNA, complete cds

TGAGAGCAGATTCTCAAATGGATGGGGACTTGCTTCAAAGCTTGTGGGAAAAAGCTTGTGGTTGTAGGAG  
GACAAAGAGGGCCAGAAGGTGAATCCATTGTGCTAAGTTCATGGTGTCCAAAGTCAGGAGCCAATAATGGGA  
TTTTGGATTGGAAGATAGTAGGAGTGAAGGAACATGTTGGGGTTTTTGTCTACAAGTGTGCAGTTATGGGCTG  
TTGAAGGAAGAATCATTTATAACTTTGATTGACAGAAGCTAGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTTCTCTTCTAC  
GAAGGGATTTTCTAGTTTTTGGTTTTTATAACTGTAGTTAATAATTGTTACATAGTTTCACTTTTTCTGGATT  
TGGCTTTTACTCAATATATGGAATTACATTATCTCCCTTTTGTCTGCCTTCTGAATTGTTAAGTTATAGGTAATAAT  
AACCCCCACCCCCATTCTCTGTGTTCTATCTTTCTGTAGGCAAACATTTTATGTAAACTCAGTTTTCAATT  
ACTGTTTCAGATTTTAGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5673 NM\_001036666|Arabidopsis thaliana emb2726 (embryo defective 2726); RNA  
binding / translation elongation factor (emb2726) mRNA, complete cds

GAAAGAGAGATTGAGTTGCAGAGGGAGGACCTTCAGAACAAACCAGAGAACATTAGGGAGAAAATCGTTGA  
TGGGCGGATTTGGAAGAGGCTTGGAGAACTTGTGCTTTAGAACAACCTTTCATTAAGGATGATAGTATTTTG  
GTCAAGGATTTGGTTAAGCAAACCTGTTGCTTCTTGGTGAGAACATAAAAAGTTCGTAGATTTGTTGCTTCAC  
CATTGGCGAGACAGTTGCAGATGCGAATGAGAAAACCGAAGCATGAATGGAGAAAAACAGAATACCGGGGC  
ATTGAGAACAAAGTTAGACATGGGATCATGGTAGCAGATAGAAGAATGTGAAGCCATGGTGAAAGTGTTTCT  
GTGGAGAGAACTTTAATATTCATTTTCTCTCTTTTTTGGTAGTGAAGAGTTGAGTTTTACTGAAAAGCTGCA  
TGAAGCATTTTGTCTGAGAGATTATAAAAGCTTCTTCGTTTCATATTATTCTCTGCATTTTGGCTCAGTAATGTA  
TTAATCTGTTGAGGCATTTCTGAATTGTCATATTCATTAATTTTCATATCATATGAATTGTTGA

>trans\_c\_5674 Novel Gene

AAAAAGAAAAGAAAACTTAGCATCTCGATCGGGAGTTAATTTCTTTTTCTTGAGTGTTTCATGAATTGCTG  
GATGATTGTTGGGGACAATTCTCTCCGTAGCAGTACTGTTATTAAGAACAGATCTTTGTTAAATGGGGTCGGA  
AGGGCCTCCATCGTTACGATTCATGTAACAGGGTTTAAGAAGTTCCATGGAGTTTCTGATAATCCAAGTGA  
ACGATAGTGAACAATCTCAAGAAGTATATGGAGAAGAATGGTTTGCCAGAAGGTCTAACTCTGGGAGTTGC  
AGCATTCTTGAGACTGCGGGGCAGGGAGCTCTCGACTTGCTACATAAGACGTTGCAATCTGCTGTAGAGGGG  
AAGGGTTCTGAACCTACCAATTCTAGAAGAATCATCTGGCTTCACTTGGGAGTGAATAGTGGTGCTTCAAGAT  
TTGCTATCGAACGCCAAGCCTTAATGAAGCCACTTTTCGTTGTCTGATGAAATGGGATGGAAGCCTCAGAA  
AGTGCCAATTGTACCGGAGGACGGTGAAGTATCACGTACACGAGAGACCTCTCTCCAGTGGA

>trans\_c\_5675 GQ865547|Prunus persica cultivar Loring DEAD-box RNA helicase-like protein  
mRNA, complete cds

AACTCCACGGCGCAGATCCGAGGAGTTTCTCAATCTCTCGCTATCTTCCAACGCTTTCTAATCTTCTTCAAATCC  
TTTCATCTTTCACTGATCTACAGATATGGCTGGTTTGGCTCCTGAAGGTTCTCAATTTGATGCACGTCAAGTATGA  
CACAAAAATGAACGAGTTACTTTAGCTGATGGACAAGATTTCTTCACTTCATACGATGAAGTTTATGACAGTT  
TTGATTCTATGGGCTGCAAGAAAACCTTCTCAGAGGAATCTATGCCTATGGTTTTGAGAAGCCATCTGCAATT  
CAACAAAGGGGAATTGTTCTTTTTGCAAAGGGCTTGATGTGATCCAACAAGCCAGTCTGGAACCGGGAAG  
ACTGCAACTTTTTGCTCTGGCATTTCAGCAACTTGATTATGGTCTTGTGCAGTGCCAGGCTTTGGTCTTGGC  
ACCCACTAGGGAAGTGCACAACAGATTGAGAAGGTTATGCGAGCCCTTGGTGATTATCTTGGTGTCAAGGTT  
CATGCTTGTGTTGGTGGGACGAGTGACGTGAAGACCATCGCATTCTTCAAGCTG

>trans\_c\_5676 XM\_002884370|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FMN binding protein, mRNA

CAACAGCTTCTTTGGGTGTCGGAGAACTAAGCGGTGAAGAGTACATGGCAGCACAAGTTGATCCAATAGCTC  
AATTTGCAAAGCCTGTTACGTCTCACATGAATAGAAATCAGACACAAGAGACAAACAACACGGTTGATTCTGC  
CATCATGCTGGATTTGGATAGCCTTGGTTTAATGTTAAGGCTGATTATCGAGGGACTTCATTTAAGCTTCGTG  
TGCTTTTCCAAGAAGAGCAGAAAATAGAAAGGATGTCAAGACTCTTGTGGTGGAAATGCTAGAAGCTGCTA  
AGCCTCAAGTTTAACCATTTTCGCAGGAAGATGACCAATTAATTACTTGTCTGTCTAATTCTTATATTAAT  
TTCTCACAACCTAATTTCTGAGATTGCTCTTGAAGATCTTTAAGTATTAACATTGCTTCTCATAAAATAGTTTT  
AAGTTATACATGGTATCTGAAAAACAAGCCATACGTGTAAATCTGATTACAATGTTAAATGATCNAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5677 DQ444223|Nicotiana tabacum UP-9A mRNA, complete cds

GTTTTAAGGAGAAGAAGAAAAGGGAGAGAGGGCATTCTGAAATCTGAAGTTGGAGAAAATGGGAGTACTGA  
AATCGGGTGGTGTGAGTCGGTAAGCCTGGGGAGGAGGAATGAGGAGCTGGAGAAGGAATTGGAGGCGAG  
CCAGGAAAGAGAGCTGGTTATGAGGGAGGAGCTCAGAAGGGTTTGTAAGGCTAAAGGTGGCAGAGGAG  
GCGGAGGAGAGGCTTTCGTTACAGCTTGGGGAGCTCGAGGCAGAAGCTCTAACCCAGGCACGTGATTACCAC  
CAACAAATCACATCGTTGATGAACCAGCTCTCCACGCTCATAAAGCTGCTGCAAGCTGCCTCCATCGCTCCTT  
ACTTAGAACACAACTTAACCCGATATGTTGGAGGCCCTTTTCCCTCCTTCAGTACTTCATCGAGTCGATGTA  
ATTCAATCTCTTACTACCAATCCAATAGTTGTATCACTTTCCGCTGCTTAAACTTTTGATTGATTACAGGCAA  
ACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5678 Novel Gene

AAACAGAGAGAGAAAAAATCAGGAGACAAATGGGTTGGTTAATAAGAGAAAGAAGAGGGCCAGCATGGAA  
ACAAGGATGGGTAGAACAAGCTTTATCCTCCATAACTCCACCACCAAGACCTCTCCTTGCAATACTTGGAATCT  
TGGTCATTCTTCTATCTGTTTCATCATATTCAAGCTACAGGTCTCAGGTGAAGAAAACAAGGATCAACTTTAAG  
CTATTTTCTTGCTTTTACCTCTAGTATTTGTCTTTGTTGGCAACTCCATTGTTAGATATGGTCGTCTTGTAATTA  
TCACTCCCAGAACAAAGCTCGAACCGGTTTACGTACGGAAGGTGCTGCTTCAGCTTCGCCTGGGGTGCGGC  
GGTTTTGCTGGTGGTGTGTTGGTCTTGTATCTTATCAGCCTTACTTTCACTCTAAGTGGTTTCCAGCAATATG  
GAGACCATATTATTATTAAGTCATGATGAAGCTTTGGTTTATATCGATCATGTAAGGTCCCCTTATAGTATGTT  
GTTCTCCACAGCCAAAAAAGAGAGAAAAAATGATGTAATTCAGAGAAGAAATGA

>trans\_c\_5679 NM\_111488|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein (AT3G06130) mRNA, complete cds

ACTTTTTCTTTTTTCACCATTTCCTTTCTTCTTCTTCTTCAAAATCTTGAAGAAAACAGGAAGAAAAA  
GGAAAATTTTCAACTTACAAACACCCCCACTTTGTGAATCTTCAATTACAAGAAGAACCCACTTTCATTTTTGT  
CTCTACAAGACACAACAACACTCTTCCATCAACACAACACTTTATTCTCTTAACACCAACACTATGAGTA



>trans\_c\_5680 NM\_001068003|Oryza sativa Japonica Group Os08g0293100 (Os08g0293100)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_5681 XM\_002887384|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ALAAT2, mRNA

>trans\_c\_5682 AY021796|Oryza sativa microsatellite MRG4121 containing (TA)<sub>X36</sub>, genomic sequence

>trans c 5683 X58356|N.sylvestris gene for 33kd chloroplast ribonucleoprotein

ATCAAAGCAACCTTATCCAATATCACTTGATCGGATTTTTCCATGTGACGTGGAATCCCAAGTGATATGTTAC  
ATTTTCATCTTCCAAATTCTGAAGCTGCCAGTTCCTCAAGGCTTCCCGGAGCAGAAAAATCCATCCCTATCGCT  
TGGAATTCCGCCATTCCCATTATCTTCTCAAATGTCGGCTTATTCTCTGGCTGCTGCTGCTGCTGCAGCTTCA  
GCTTCTTCATCTCCACTCTACAAGAACTTCTTCACTCAACATCCCAACCAAATCCCTCTCATTTTTCTCAA  
AACACAACAAATTGAAGCTTCTCAACCTCACAATCCATTTACCCAATTTTTACCCTCTTCTCTCTCTGTTCT

CATGTCCACTGTGCGCCTCCGGCTTTCGATGAGCTTGAAATCTCCGACCCAGAAACAGAACACGGAGACGTAC  
AAGAATCGGATGGTGAAGAACAAACCCAAGAAGAAGATGAACAAAAAATATCGGTATCTCGTGAAGCAGGG  
AAGCTTTACATCGGAAATTTACCCTATGCTATGACTTCTTCCATTGT

>trans\_c\_5684 XM\_002870164|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata At4g15770, mRNA

ATTGTGATTTCTGAAGCATCTCAATACCCTCACAATCATGGGGCACTCCAACGTTTGGAAGTCTCATCCTAAGAA  
CTATGGCCCTGGTTCTCGCACTTGTCTGTGTGCGGAAATCCCCATGGGTTGGCTGAGAAGTATGGACTTATG  
TGTTGCAGACAATGCTTCCGCAGCAATGCCAAGGAAATTGGTTTCATCAAGTACCGCTAAGAAGCTAATTATC  
CCTAGAAGAGAGAATGGGTTGAATTTATATTGAATAACGCTTCCCATGCTTTGGATATGTCTATCCCGGATGCA  
ATTTTCATCTCTCTGTTCAAGTCGTTGGGGTTATTGTCCCCAATGCCAAGCACAAGGTTTGGCTTAAACCAACCT  
CTGATATGTCCTTTCTGTATGAAAACCATGTTTTAAAGGCGGCTTAGGACGGATTACTGAAAATATTGTTCCC  
GGTGATGGGGTCGTATGTATTCTATGTCGGATGTGCCTTTGGGATTGGAATTGCGAAAAAGTCCACGCAG  
GATTGAACGAAATTGGACCCAAATGCGATTGTGGTTCTACACCAATCGGATAT

>trans\_c\_5685 Novel Gene

AGAGAAGGAGATCCAATTCCAATAAGTTCCACATAACATTAATAATGCCAAAGTAGACAACAGAGTCTAGTC  
CCTCTCTTTCTTGCCATCTCAAGTTCATTAGTTCTTCTTAAGAGGTTTTGGGTTTTGTTACATATCATGTAAGA  
TTTCTTAGTGTTTGTTGTTGTTTTTCTTCTATACTTATTTTTGTAAAGATAAAGAGCTGTTCTTTTTTCTCAT  
TCATGATTATATTGGGGAATTTTTTTTTTCCATTGTATCAATAAACAAATGCCTCTACTTAGAAGAGTTATTTTG  
GTTTCCACCTTCCACAAAAGTCTACATTTAATCGGAAGTTTTGGTATAATTACGGTTACTCAACCTATTTTATCC  
GACCCGAGTAAAACTTTATAGGGTTCGATTTTCTACTTCACATGGTGTTAAAAAATGTATACATATAATTCTT  
AAATATTTTGAATGCATAAGATAAAAAGGCCAAACCATTTAACCTCNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5686 M16058|Cucumber LHCP mRNA encoding chlorophyll a/b-binding protein, partial  
cds

CATCCTACCTAACCGGAGAGTTCCTGGTGACTACGGATGGGACACTGCTGGACTTTCAGCTGATCCCGAGAC  
CTTCGCCAAGAACCGTGAGTTGGAAGTGATCCACTCCAGATGGGCCATGCTTGGAGCTTTGGGGTGCGTTTTTC  
CCTGAGCTTTTGTCTCGCAATGGTGTGAAGTTCGGTGAAGCTGTGTGGTTCAAGGCTGGGTCTCAGATCTTCA  
GCGAAGGTGGGCTCGACTACTTGGGCAACCCTAGCTTGGTCCACGCTCAGAGCATTTTGGCCATCTGGGCTTG  
CCAGGTTGTGTTGATGGGTGCCGTCGAGGGTTACCGTATTGCCGGCGGCCCGCTCGGGGAGGTGACTGACCC  
CATCTACCCAGGTGGAAGCTTCGACCCATTGGGTTTGGCTGATGACCCAGAGGCCTTCGCTGAGTTGAAGGTT  
AAGGAGCTGAAGAATGGAAGGTTGGCTATGTTCTCCATGTTTGGATTCTTGTTTCAGGCTATTGTTACTGGAA  
AGGGTCCATTGGAGACGGGTAGTCGACAAGGTAGTCAAAGTACCACACAACATTG

>trans\_c\_5687 XM\_002864920|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase M3 family protein, mRNA

AAGAGGGGAGGTGCATGGATGGATGAAGTTGTTTCACGAAGCTGTGTGTTAGCACAAAGATGGCGCCCCAGC  
AAGGTTGCCTATTGCTCATATGGTGTGCAATCAAACACCGCCAGTTGGAGGAAAACCTAGTTTAATGACATTT  
CGTGAGGTAGAGACAGTATTCATGAATTTGGTCATGCACTCCAGCATATGTTGACAAAACAAGGTGAAGGTT  
TAGTTGCTGGTATTCGTGGGATAGAATGGGATGCTGTTGAATTGCCATCTCAGTTTCATGGAAAACCTGGTGTTA  
TCATAGGTAGTTTGGTTCCAAGTTTTGTTGTTTGTGTTCTATGTATAATAATTAATGAATTGGCAAGCCTTCA  
TTTTCTCTCAAATTGGTTGATGCTACTTCGGGATTGCAGTCCTACTGCCTGAGAAGTGTTTCCACCAATCAAGT  
GACAGTGATTTATCACCTGTTTTTGTAGTTTGTAATGGTTTTGTTCTTTGGAGTTTTTTTTTATTAATGTTTTTG  
TGATTACACTGGATTACCAGTCCTTATATGGCCTTGATGTTTTTCTGATT

>trans\_c\_5688 XM\_002888774|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyltransferase family 14 protein, mRNA

ATTCGTTAAAGATCAAAAGGAAAAAGCGACTATGATGAAGATCTTCACTGATTTCTAGATTCTACGACTATTG  
GAATCTGATTTTTAATTCTTCTCATAGTTTCATAATCGAAAACCATGGAATCTGTGTTTTAAGATCTTGAATT  
CGAGCAAGTTTTTCAGTTATGGGAGCTGAGAAGAAATGGCTCTTCACTTTCTTCTTAGCTACATTACTTTCTCTG  
ATTTTGTTACTCTTCTCTACCATTTCCGCTTTACAGCGTCAAGGCTTCTCCCTTCTCTGTTACCGAGGACTTC  
ACCATCCACCGGCTTTTCTTACTATCTATGGTGGACATGGCGATAAGGATAGGATCTTCCGGCTGTTGCTT  
GCCGTTTACCACCCGAGGAATCGGTACCTTTTGCATCTTAATCACGAGGCTTCCGATGGAGATAGACAACAAC  
TAGCTGCGGCTGTGAAGTCTGTTCCGGCTATTGAGCTTTTGGGAACGTGGACTTAGTTGGGTAGCCTGATCG  
TATGACCTATAGTGGGTCCTTACATTGGCCGCACTTTTGCCTGCTG

>trans\_c\_5689 D50407|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 1 complete cds

ATAATCGCAGAAGAAATAAACAAATTTGAAGCCTGGAAGGATTCTTGAAGTCTTCTACCATCAAGAAGT  
TCAGAGCTTATGTTGAGAGGATCAGGGCCGCTGAACTAGACAAATGTTTGCCAAGATGGGTGAAGACATAC  
CAAAGAAAAAGAAAGTAGCTATTAATGATCTTAGCTTGGGTATAGCTAACAACTACTTCATGGTCCAATACA  
GCACTTGAGATGTGATGGCAATGATAGTCGAACGTTGGATGAGATACTTCAGAATATGCATGCTATTAACAGA  
ATGTTTGATCTTGAGACGGACTTGTCTGTCTTGAAGAGAAGATTAGAGCAAAAGTTGAACGTGGCCAGAAG  
TAGAGGTTGCATTCTTTTGTGAGGCTTTGTTGATATTCTTACAGTTGCAGCATTTCATGTCTTGACTGCTTGTA  
GCTTTATACGGTTGACAATTCAGTTTCTATTCTTTGTATCTTGTGGGGCGAATTGCCCAATCATGCGAATACCA  
AGTAATGTATCAAAATGAGACTATAGAGAAAAATAACTATTGCAATTGACTCGT

>trans\_c\_5690 Novel Gene

GACATCAACAGAGATCGAAACAGAGAGAGGGTTTGAAATGAGCGGAGAGCCGGATAACGGAGGGTCTGAAG  
GCGGCGAAGATCGTGGGGGCGGTGGTGGGGTTTGCGACTTTCATCGGGTGTGTGGCGAGCATGTTGTCGTC  
GGCGGACTCTGAACTGCCGGTGATAGGAAAATGATGAAGGCTCCGGGAAAGCATGGGGAGGAAATGTACA  
GAGATGAGTTTGAGAAGGATCCTTCCAAGTATTTGAGAGACTTGAGGAAGAAATGAGATCACTATAAACATCT  
GAAGATATTAAATTAAAGCTCCTAATAATAATAAATTAATTAGTTTTGGTAATTTTGTGGGGTTTTTGTTCGT  
TGTTGTTGATTTTCTGCTTTTATGAATGTTGTGTGATGATGAAGACACAGTACTGTGAGTGAGTTCTTATGGGG  
AGTTTCAAAGTGTTGAATGAAATGGGAGCATCGTGCAAGTTCGTAAGTCTTTTTGTGATGTAAAATATTAACA  
TCATCGTCCCTCGTTTAAAGATGATTGTTGCGGTATTCCATTTTCTTTCACACCTGCCAA

>trans\_c\_5691 FJ871001|Gossypium hirsutum ATP synthase epsilon subunit 1 mRNA, complete cds

ACAGGGAGTTTAGAGAGTAAGTCGGAGAACAATGGCGTCGAATGCAGCGGTACCCTTTTGGAGAGCGGCGG  
GGATGACTTACATAACATACTCAAACATTTGTGCCAATCTGGTCAGGAACTGTCTCAAGGAGCCTTACAAGAC  
CGACGTTCTCAAACGTGAGAAGGTTCATTTTCCGTTTCCAAGTGGGTGGATGGCAAGCCCCAAAAGCCCACT  
GTTAGGTCGGACACTCCTGAAGCGTGAAGGTGTTGGTAGTTGCCATTTGGAAGGTGCTTCTGTTTTCTTATCA  
ACATTCGTAGGATTGAATCACTTTTTGAAATCAAACCTTTCATGGAAATGGATTGATGAATCTCTGAATTTCCA  
TAGGTTTGCAAAATGTAATAAATCTTGCTATTAAATCAACTATAAAGTTCTTTATGTTTGGTTTTTCCATGAAAC  
TACACTCCGTATCCTGCCACTTTGAGCATTGGATCTTCATAAAATAATTTTTCTGTGTTGTATAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5692 AY112310|Zea mays CL14642\_1 mRNA sequence

GAGAAGAAGACAAAGAAAGTGAGGAATGGAGAAGTGGGTATGAATGGAGATGTGACTATGGATTTGGCAA  
CATCTCGTTTGTCTGGTAAAAAGCATGGTATTGAACTTCAGACTTTGGAGAAGGTTTCTGCTAAGCCTGAAAG  
GCATGAGCGGCTAGATGGTGGAGCTCAGGTAAAGGTTGCAGCTAGTAATGGTGCTGTAAAGCGTTTTAAAGC  
AGCAGACATGGTCCCGGCCAATGCTACCAAAGAAGCTTATGCTTCAATATTCACCTCATCTAGGAAGTCAGAT  
TTCAAGGAAACATATTCTGTAGATCTCTTCCACTCGGTGCGAACTAATTGGTGATAAGAACTGCTTAGATGGG  
TTTGTGGCAATTCTCCTATTATTGTTTGTATTCAAACCTTCATTTTTCAGTGTCTTATGTGCTTATTGATTCATGTC  
TCATAGTTTCTAATTAATGTAAGATGTTACTTCACACTTTACAGTCACCAACTGCTTTTAGTCTGTTGAGCTGTTT  
TACATTTGTAGATGAGTTAATATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5693 BT011915|Arabidopsis thaliana At1g56250 mRNA sequence

ACTAGATTTGATGCCAACTCAACTTTCTCTTCAATTACTTCCAAATAATCAACCAACAATTGTAATGATAATAA  
TTCAGAAGCCTACGTTTGGTTGCACCGTAAACATAAACATCATGAAAAGAACCAAGTTTGGAGTCTTTGTTAT  
ATGGCAATAGAAGGGAAAGAGCCAGTAAGTTGTTACAGAATCATCTTGAGAATAAGGAATTCAGGGTTTTGA  
GTGAAAGAGAAGACCGGTGGTTGGAGATTGAATTGGGTGAATTTTTCACAACGCAAAAAGACGAACAAGTCC  
ACATGAGTTTCATGGAAACCAAGGCTTTTCAGCTCAAATCTGGTCTTCTTATTCAAGGCATTCAAATCAGACCT  
AAACATTGAGATCACGAACCTCAATTTCCGATCATAGTTTAGTAGATAAATCACACACTACAATTGCCTTTTGGT  
CTACAATTTGGTGATTTGAAAAAGAGAATAACAAATAATAGTTGTATGATTATTGATTATTTTATTGTTAACTA  
ACATCTAATCGATTTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5694 GU129205|Populus deltoides cytochrome P450 allene oxide synthase (AOS1-1)  
gene, partial cds

AGATCAAAGAAGGAGAAGTGATTTGTGGGTATCAGCCATTCGCAACAAGAGATCCGAAAATCTTCGACAGAG  
CGGACGAGTTCGTACCTGATCGGTTACGGGCGAGGGTGAGGAGCTTCTCAAACACGTCATATGGTCAAACG  
GACCGGAAACACAGTCGCCGTCGGTTCAGAACAAGCAGTGCGCAGGAAAAGACTTCATCGTCTTCATCTCTCG  
GCTTCTCGTCGTTGAACTTTTCTCCGTTACGACTCCTTCGACATCGAAGCCTCAAACACTCCGTTAGGTGCCGC  
CGTCACCGTAACCTCCCTAAAGAAAGCAAGTTTCTAAGGGAACAAGAAATAGAAAATTACCGTCAGTAATTAG  
TGTATAGTTAGTAATTAGAAAGTTTAAATGAGAATTTAAAGATAAAAAAAGGTAAAAAGGAAAAGGAGTGT  
GGGGTCTACCACTTTATAAGAACCAATGGAAGAGGAGATCTATGTGGGACCCCCACAACTGGCTTTTGTCTT  
TGCTCAAAGATTGTGAAGTTATCAATAAAAGCTATATATATATAATTACCAATAA

>trans\_c\_5695 U61974|Malus domestica metallothionein-like protein (AMT2) mRNA, complete cds

AGATCATAAGCAGAAAAAAAAAAGAGACCATTAACAAGCTATTTGTTTTCCCTTCTCTTGCAACTTTTTAGCTTC  
TTCACCATGTCGTCATGTGGCAACTGCGACTGTTCCGACAAGACCCAATGCGTGAAAAAAGGGAACAGCTATG  
GCGCTGTCATCATGGAGAATGAGAACAGCTCATTTGATGCCATAGTTATGAACTTCCCAGCGGCCGAGCACAA  
CGACAAGTGCAGCTGCAACCCCTGCAGCTGTCCAACTGTGGCTGCAACAATTGAACACATACATCTGTTATTT  
CAACTAGCACAGCTATGTGAAAGCCAGCAATAATGTAGCTGTGTTTGAAAAAAAAAATAGTGTCTGTTTTAT  
GTTCAAAACCTCTGTTCTTAGCTAGAGGTGTGTTATGAATAATGTCTATTTCTGTTTTTCATTACAGTCATGTA  
ATGTTGGTCACTTGTGTCCATGGAGTTAATGGATAAGTTATACTAGTACACTCTCTAAGCAACAGGATCCTACC  
AAATTGCGCTATGGCGAAAAAGAAAAAAACAGAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5696 GU171556|Ipomoea batatas microsatellite Stv\_lpb\_183 sequence

GGCAACAGGATTGCACCAAGAAGATCAAAAATTGATATACAAAGAGAAAGAGAGAGATTCAAAAGCATTCT  
AGATGTGTGTGGAGTTAAGGATCGTTCAAAGATATTGCTTCAAGAAGACCCAATTAGTCAAGAGAAGAGACT  
TGTTGAGTTGAGAAAAAATGCCAAATTAGAAAAGGCTTCCAAATCCATTCCCAAATCAGCTTGAGGGTTGAC

AGACTTGCTGGTCAGGTAATTCATTTTTCATTTCCATCTCAAACCCTTCTAATTCTAAACCTTTCTTTCTTTTCCTC  
TCGTTATTTGGTTCTTACGTAGTCGTTCTCTAAGATTACATTCTCACACTGTCCAATTTTCACTAAATTTACTC  
ATCATCTCCTGTTTTATATATTATTTGTAACCATGAGTTAAAAAATGAGTTATATAGTTGATTAAGCTTTACTAC  
TATTCTTCATCATATTCACATCATCACTATTTTAAAGACGAGTTTAGTGAAATTTTGAAATTTTCGTGGACAGTAA  
AACAACAACCCGATCTCAGGGGTAAAATTGTAACATTTTCAAAAC

>trans\_c\_5697 NM\_102160|Arabidopsis thaliana major latex protein-related / MLP-related  
(AT1G23120) mRNA, complete cds

GGAGCAGATTTGAAGCTACACATTAGACTCTTCAAAATGGCTCAGATATGTAAGATCTCAGAGCAAGTGAACA  
TCAAGTCTTCTGCTCACAAGTACTATCAGTTTTTCAAGAACAAAATGGATTATGTCTTAGTTCAAATGTTTCCTG  
AAATTTATAAGAGTTGTAAGGTTGTAGAAGGGAATGGTTATTCTCATGGCAGCATCATCCACTTAAATATAA  
CGCAGGAAGACCAGAAGAGATGAAAGAGAGGCTAGCTATTGATGATGCTAACAAGTCAATAACTTTTGAGTG  
CCTTGAAGGAGATGCATTAAGAGATTTTGAAGTGCTTAAATTTAAATTTCAAGTTTTTGAGAATGGTAACAAT  
GGAGGAACAGTTAATTGGTCAATAGAGTTTGTCAAGGCAAATGAGGATGTGGCCTCACCACATCACTATCTCC  
TATGTGTAAGTAAAGTTGCCAAAGGCCTTGATGACTACCTTTGCAACAACCTGAACTTAAAAACCATCTCAACAT  
GGTTTGGCTATTGAAATAATGATTTAAATATCTCCTTATCTCTAGCTGTATTG

>trans\_c\_5698 X68077|P. sativum mRNA for phosphate translocator

AATACTGACTTCTCATGGAATTACCGCCAGAAATTGGTTCGCGATAAGCCCCCTCCTGAATAAATCCTCGCCTT  
ACCCAACCAAACCATTTTCTACTCTTCTCTCTGTGCTTCTCCTGAAGTTATGGAGTCCCAGTTTCTCTCAC  
GCGCCACCTCCTTCGCCGGCGGCATTCCCTCCCTCCGCAAGTTGCACAGAGACGCCACCACTAACAGCCACCAT  
GTCGCCTTCGTTCACTAGGCCCATCGCCGAGGGAGCCAACTTGATCTGGGGAAGACAACCTCCGCCCCCTCTT  
TGCTCCTCGATACGCCGCATCTTGTCTCGGCTAAACGTGAGACTATTCGCCCTACCTTTGCGGCGGCCTCCTCTT  
CTCCAGCCGGAGGTAGCGATTCCGCCGGAGAGGCGAAGGTTGCTCCGGTAGGTTTCTCGAGAAGTACCCGG  
CGTTGGTCACCGGATTTTCTTCTTCATGTGGTACTTTTGAACGTGATTTTCAATATCCTCAATAAGAAGATAT  
ATAATTACTTCCCCTATCCATATTTGTGTCGGTGATCCATTTAGT

>trans\_c\_5699 Z34269|H.vulgare (pMaW25) mRNA for beta-ketoacyl-ACP synthase

GAATGAGGAAGGTTTGAGTTATCGACAAGAAATTCAAAAGAAAACCTTAAAGTTTCTAAGTTTAATTTACTTCA  
AAAGAAAAATGGCAAACGTCCCTGTGGCTCAGCCTGCAACTGCACTCCCAACAACCTGCTCATGCAACCATAA  
TGTTGCTTCCATGAAAGAGAACTTCGAAGGTGATTGTGGCTGCAACAAATGCTCATGCGGAGACAATTGCAA  
GTGCAATCCATGCAACTGCTAAATTTCAAAGCTTTCGATATGGAAAGCATACTAATTTACATATTAATGTGCTT  
CTAATGATTTGAATTATGTATCAAATGGTTGTGTGTGTGTATGTTGTTTGTCTGTATGGTGTGTTGACAAAATGC  
CGCTTACAAATACTTGAGAAATAAAATACCACACAACAACCTATTATTATATAATACTTGTATCTTGTTTTTCC  
CCCTTCCAATGTCATTTCAAATAGGCCAGTTATGACTGGTTAATTTCTACTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAGGCCCCCCCCGCCCCCAAAACCTAATCAATCCCGCCAACCCCA

>trans\_c\_5700 Novel Gene

ACCTGCCCTTCTTCTCCTCCTCAGTTTTTTCATCGGGTTTTTCTATCGATCATTTTGCCCAATTACAATCTCTACA  
ACAGTCGAGCTTCTCAAGAAGATGGTGAAAGTAGCGACCTTCTTGCAATGTCCTTGGGTGCTTTCGTTTTCTG  
GCAGTCAATGGATAAACTCCATGTTTGGATCGCTCTCCGTCAAGACGAAAAGAAAGAGAGAATGGAAAAGGA  
AGCAGAGATCAGAAGAGTTAGAGAAGAGCTACTGCAACAAGCGAAACAGAACGACTCTTGTCTTAACCTCTT  
CTTTTTCTTCACCCGGTGCCCTTCTGTTGCTGCTACCGGTTTTGAATCGATAAGTTTAGATTGACATTTTATTAT  
AAGTATCGTTTGTCTGTTCTTGAACAATGATACTTGGGGGACTTATAAATGGTTGATTACTCATTTCTGCAATT

GTTGTGGTTGTCAAATGGTAAACAATGCTCATTTC AATTGGAGCTTTTCTTTTGAATAATTGAATTTGCCTCA  
CGATTCAAGTTTGTATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5701 AM745116|Hevea brasiliensis mRNA for hexose transporter 1 (hxt1 gene)

TGCATATATGTTGCGGGCTTCGCATGGTCATGGGGGCCTCTAGGTTGGTTGGTTCCAGTGAAATCTTCCCTT  
GGAGATTCGTTGCGCTGCACAAAGTGTAACGTTTCGGTGAACATGTTGTTACATTCATCGTAGCTCAAGTCT  
TCTTGACAATGCTTGGCATTGAAATTCGGGTTGTTCAATTTCTTGGCCTCTTGTCTACTCATGTCGATATT  
CATCTTCTTTTCTTACCGGAAACCAAAGGCATTCCAATTGAAGAGATGAGTCAAGTTTGAAGAGTCATTGGT  
ATTGGAAGAGGTTTGTGCATGACAGTCATTGCTAATGGAAAGGGCGGAGTTGAGATGAAAAGTGGAGGA  
TATGCATAAATTTGGGTCATTATAATTGCTGGGATTATATATATTTGTTTCCTTAGTGAACATGGATGAGACA  
CTATGAATATCACATATCAAATATCAATTTGTCAATGACATTTATTAGATTATTGTGTAATTAATTAATTAAGCG  
TGAAATGATGGAATTTGATTTATTTATGAAAATTAGTTGAGATG

>trans\_c\_5702 XM\_002309109|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 23 (CPK23),  
mRNA

TGACGAGCACCTTAGAAAGGCATTTTCTACTTCGACAAGGATGGAAACGGTTTCATTGAGCCAGATGAACTT  
CGAGATGCTTTAGTAGAAGATGGAGCGGATGATTGTACAGATGTTGCAAAGGACATCTTCAAGAAGTAGAT  
ACAAACAAGGACGGGCTTAACTTACGAAGAATTCGTGGCTATGATGAAAACGGGAACGGATTGGAGGAA  
GGCTTCTCGACACTACTCAAGAGAGAGATTTAACAGTCTGAGCATCAAGCTGATGAAAGATGGATCACTAAAC  
TTGGGGAGTGAATAACACAATCAACCGGAACAGAGGAATTGCATCTAGTTTCTTCGCATACGAGAAGCAGTG  
TAACGTTTGGCATACATCATCAGAAATCGCTTTTCTGTGTGATTATTTGGTGGGTTGGGCCCGGCCCTTCGA  
TTAGTATGTGGCGGCCAGTATGTGTCTAACTGGCCACCTAAAATGTTTCTTTTTTTCTTTAAATGTAATG  
CGATGCCTCTAGTGTTAACCACAACAGTACAGCTTCTTCTATTCTATTATAT

>trans\_c\_5703 NM\_124077|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related  
(AT5G47060) mRNA, complete cds

TTTCTTCTTTAAAAACCTCCTTCCATCTTCTCCATTTTCTCTCCCATGGATTCTCAAATCCCACCACCGCCGTAA  
CTAAACCTGCTTCTTCCCTCCTCCTCCGCCGCCGACGACGACATGGAACCCGGAATCTCATCTCACCTTTCT  
TCTCCAGAACCTTCCGTTCCCGATCTTCCCGTTTCGACGATCCTGTCCCTCTTCTCATTTCTTGGACTCCTGTT  
CCTTTGCCGGAACCTCTCGGGAACAACACCGATATCTTCATGTACAGAGGGGATACTCCGTTTTGTAGTGAA  
GAATGTAGACAAGAACAATAGAAATAGATGAGATGAAAGAGAAGAAATGGAGGAGGTCATCAGCTGCTGC  
TATGAAAGCGTTAAGGAATAAAAAAGATCAACAAAGAAGAAGATCTACTTCTCTAATAAATCTTCTCCTCCGT  
CGGATTATCCTTTCTGTGCCGGCACCGTCGCCGCCGCTTAGGTTTTAAAGAAACTCATAAGAACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5704 AB072391|Nicotiana tabacum NtSIP1 mRNA for 6b-interacting protein 1, complete  
cds

AAGAAACAATATACATTAGCAATTCTCGAAAATGTCAAATCTTGTCTTCTTAAGAACTGAATTAAATTAGTTA  
AACCAAAGTATACAACAAAACAAGATTAGGGTGGGAGTATGTCACGTGACATCATTAATGAGGCAGAGAGCT  
GGTTTCATAATCTTCAGAGGAACTAACTGATAAACTACACGATCCAATGGTATAATCTTGAGGAAGGAATT  
ATCCACCAAGTACCCTTTCTTTTTTCTTTTGATACAAATGATATCAGTTAGAGCCACCCACAGCCATTAAT  
CAACAAGAAGACATCATGCACTTCAAATTATCCCTCCAGCTTCCGACTAGAGGCTTGCCTCAAAGACCTTGG  
AGACATCCTCCCCAACATTCCGAGCCCAACATAGTCATGCTAGAAGCAACATTGAAACGTGAGAACAAATT

TTCTAATCCACTGGGAGTTGATTTCTTCCCTCGCTTAATCCTCTCAAGCTGAACCTGGGTCTCCATGAACATATG  
CATCCGCTGCAGCTCCAAATCCTTAGCAAATTGCATCCTCTGCTT

>trans\_c\_5705 AB472846|Moss transformation vector pPIG1HGC DNA, complete sequence

TATTGTTTATAGTTGCTGCCATATTTAATAGTTGCTGTCATATTGTATAGTTGTTGCCATATTTCATAGTTGTTGC  
CATTTTCTTATTCTGTTGTTGCCATATCTTATAGTTGCTGCCATATTTTATATATGGGTAACCTACATCTTGTTGTA  
GATCTTGTTGGGACTATCGACATCTTGATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACC  
CCCCCCCCCAAACCTTAAGGAACCCCCCAACCCCAAGGGGGCCCCGATACCCAATTCTCCCTAAAGCGCA  
TTGTATTACCCCTCCACGGCCCGCCTTTTAAAAACCCCGTGACAGCAAAACCTGGCCTTACCCAATTAC  
CCTTTTGCAACAAATCCCCCTTCCCAAGTGCCCAATAACAAAAATTCCCCCCCCTATCCCCCTCCCAAAG  
TTACCAACCCGACCGGTAAAAGGGACCCCCCTGGAGGGGCC

>trans\_c\_5706 NM\_119741|Arabidopsis thaliana Rho-GTPase-activating protein-related  
(AT4G35750) mRNA, complete cds

ATCATCAAATTTACCAAATCCCTTTCATCGATCCTTATCCATAAACTAATTTGTTTGCCTAAACCTTCCTCCCA  
TTCCCATCTTCTACCTTTTTCACTTCTTCACTATGGCCGCTCTCCTTACCCTCCTCCGCCGAGCAAACTA  
CCTCGAAAAGCTCGACGTCCTCAAGATCAAAGGCAGAGATAAACAAGGCCGCCGATTCTCCGCATCACTGGA  
AAATTCTTTCAGCTCGGGTTGTGAGTTGGATGTGCTGAAAAAGCATCTGGAGGAGAAGATCTTCCCTAGGC  
TTAAGAACAAGCGTTTACGATCTTGTACTTCCATACCGGCGTTCAAAGGAGCCAAAATTTCCCGGAATCGCC  
GCCCTTCGATCAATCTATGACGCGATTCCGGCCGCCGTCAAGGCTAATCTTGAAGCCGTGTATTCGTTACCC  
AGATCTCCAGGCCCGACTCTTCTCGCCACTCTCGTTCGATTTTCTTCACTAGCGAGGTGTATGGAAAGGTGA  
GGTACGTGAGTAGAATTGATCTGCTGTGGGAGCATGTACGGG

>trans\_c\_5707 BT008304|Arabidopsis thaliana At2g21195 gene, complete cds

ATACAAAACCATTTCTGAGGAGACAAAAATGGAGAGAAATTTACGGTATCCAAACGCCTTCTTTCGATCGT  
CGCTACGGTTGGGTGTTAGTCTCTATCTTCTCTCTCAATTCAGCTCCCGGTCTGTAAATTTTAAATTTGGAT  
TTTGATGATTTTTACCTTCGGTTTGCAGGATTGATGAGTGGAAGACCCCTTCGGAAGAAGCTTTGGCCGGTGG  
CCGAGGAATGTTCTGCATAGTGCCTCTCGTGAAAAGTTTGGTTAACTCAGTCACACAGATGGTTAATGTTGCA  
GCAATATCCACAGTTAAAGCTGTTGAAAATCCAGAGCTACTTTCACCTCAGGTACTACAAGCAGGTCTGCAGG  
AAAGGCTTGAGAAATTCACGTCGTCCATACAAAATCACCATTTGCCTTGGCTTCCAGAAAGTTACTGCTCCT  
TCAGTTTCTACTTGTTCCTTGCCTCTTCAAATGAAAAATTGATCACAGTTAGCTGAATGAATATTGATCCTTA  
CTCACTTGAACTTAAAAGTGAATTGTCTTTGAAAAAGAAAAAT

>trans\_c\_5708 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,  
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

CAGGAAAAGCTCGAACGACCTTCAACAGGGAAACGTTACGTTTAGGGTTATAATTTACGATCAAGTCATTCA  
ATATTTCTTTTTAGAGGATAAATCCACATTTAAATTATGTGTCAGATGTATTAATACCCTATCCCCTCCATC  
TGGAATTTTAGTTCAAATCCTTCGCTCCTGGGTGAAAGATGCCTCTTCTTTTCAATTTATTCTCATGGAGAGTTC  
GATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGCTTAACACATGCAAGTCGGACGGGAAGTGGTGTTCGTAG  
GCAGAAGGAAAAGAGGCTCAACGCTTTGTCTCGCCTTCAAGGTGGGAAGAGTTGAGAACAAAGTGCGCAA  
CGGGTGCCTAACGCTGGGAATCTGTATCCACTGGGCCCCGAAATAAGTGAAGAAAGCTAAAAAGCGCTGTT  
TGATGAGCCTGCGTAGTATTAGGTCGTTGGTCAGGTAAAGGCTGACCAAGCCAATGATGCTTAGCTGGTCTTT  
TCGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGACACGGCCAGACTCCTACTTC

>trans\_c\_5709 AY105545|Zea mays PCO081749 mRNA sequence

TATGTGGGAAGCGAATTGGATCCACACCGATCAAGAACAAGGGATGCTAGTCCTGGGGCACTGCACAAGAGC  
ATGAGTGCACAAAGGAGCCCACCAGTCGGACCTGCGGATCCAAAGAGGAGCGCTTCTGGAAGGCACACAGG  
ACATGGACATGTAAAGAACTACGACTCTGCGTTGAAAGGAATTGAAGGACTTCAGTTGGAGAACGACGAGAG  
GGTGCATTATTAAGTAAAAAGCTCACTTTGTACAAGAATTTTCTCCGGTGTGGGACAACACTCGTGCAAT  
TTGCCGCTCTAGAATTTTGGAGGATTTTCTTCTCCTTTCATTTCAAAGGGGTGTGGTGATTGGGAACATACTC  
CAATTTATGATTCCTTAAGACAACAAACAAACCCACAAAAGTCTTTTATTTGGGATTTGTTATTGTAAAGTCCTT  
CACAAATTCGTCCCCTATTTAACATACATTTTACCATCCACATGTCTTCTCCCTTTGTCCCCTAGAAAAAACCG  
TGAAACCTTGTGAATTTGCTTCTTATATTAACGTAAATTTGCCCC

>trans\_c\_5710 BT024531|Arabidopsis thaliana At1g68680 mRNA, complete cds

TCCCGCGGGCTGAAGCTGAAAAGTTGTTTTCCAAAAGCCGCCGTTCCACCTCCGCCATGGCCTCGCCGCC  
CGTCGATCCCAGTTCTCGGGAGGCTTTCCGAGGAAGCAATCGGCCCATCAAGTTCTTGGTTCCTCTCGTTT  
ACGCCCTGTTCTTCTCTCATTAGAATTGCGCTGCGGAAAAACCTGTTGTGAGGGATCGGCTGTCACGGC  
GGTTTTGGCTGGTGCTTTTGCCCATGGGTTTTACTTGTTAACTGATATCTACGATGCTGAGAGCAAGTAAGCTC  
AATTTCCACCATCAACTGATGTTTGCTGAGAGATCATTATTTACTCCTTTTTCTTTTTCTTTACTCAATAATTCA  
TCCTATCATTTTTGTTCACTTATTATTACTTGAACAATGAATTATACTTTACCTGAGGATTTCTGACGGCTAG  
TTAAGACTTCAGAAATAATTACTCAAACACACATCAAGTTTTGGGGTCGCATTACAAGTTGTTAATTTGACTA  
CATTTTCTTTCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5711 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AGTAGAGTTTAACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCGGGGTCCGCAGGACCTCCCCTA  
CAGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCAAGTTCGGGATGGATTGGTTCAGGGCCAGACCAACTACTCC  
AAGAGCACTCATCCATAAACAGTTACTGGTACAAATAACATAAAGAAATGTAACCAACGTTTATTGGAAAAA  
GCAACCCCAAAGATTGTTGGGACCAAAAGCGGTTAGCAGTGACCATTGAATAAGTTTCTTCAGCTTGAGTTGGGT  
TAAAAGCACGGAATGTATTTGCACCATCCCATCCTCAAATAAGGTATTTTCTACGGTAGCACCATGAATAGCG  
CATAGCAGAGCAGCGCCAATACACCCGCAACTCCCATCATATGAAATGGGTTCAATGTCCAATTATGAAACC  
CTTGAAAAAATAGGATGAATCGAAATATAGAGGATACACAAAACTAGGCGCAAAGAACCAACCAGACTGAC  
CTAGTGGAATAATCAGGAATACAGAAACAAAAACAGCAATTGGGCCCGG

>trans\_c\_5712 AF262997|Ricinus communis NADP-dependent malic protein mRNA, complete cds;  
nuclear gene for leucoplast product

GTTTGGTTTGGGTGTCGTAATTTCTGGTGCAATTCGTGTCCACGACGACATGCTTCTGGCTGCCTCGGAAGCAT  
TGGCTGCCCAAGTCTCCGAGGAAAACTACGACAAGGGATTGATCTACCCGCCCTTTACTAACATCCGAAAGAT  
CTCGGCAACATTGCAGCTAATGTGGCTGCCAAAGCATATGAACTTGGTTTGGCAACCCGTCTCCACGCCCT  
GCAGATCTAGTCAAGTATGCTGAGAGCTGCATGTACAGTCCCGTCTACCGAACCTATCGATAAATGCAACAAC  
GTACCGTTCTTGTGGTTTGCATTTTAGAGCTTTTTAATAGGAGCTCTGTAATATCCTCATACTATGTGCTCTAAG  
AGAGAGCTTGAAGTCTTGCCAAAATCTATTACTTGTAAATGATGTAATGTTGTAATGTTTTTCTTCAGAAGTG  
AGAAGTTATTTGTTAATGGAATAAGTTTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5713 Novel Gene



ATTGATTCTACTGTTGCGGAGTCCTGTCTTGATCGGATGCCATTAAAATATAGACTTAAAGAGAACTCTGAGCC  
GCTTGGTTTCAGTGTCCAGCAAATTTCTCCTGAAGGTGAATCCTCTCAGGGGATGATCTCACCTTTTAAGCATG  
CTGGCTTTACATAGAAAATGGATATGAGGTGACTCCGAGCGTCGAACTCCAATTCATACCAAGATTAACCAG  
CAACTCTCCACTGCATCAGAAGAACAAGAAAACCAAGAGTTGAAAAATCTGTGCGCCCTGAGGACTGGCTAT  
GATAGTGAGGTATCCGTTTCACTGCAGTTGGGTGAGCATGAGCCAGAAGCAAAGAGAAGGAAGCAGTTGGA  
TTGTCTTTCTAGTATCAAAGAGTCATCTTCATGAGTGAGAAATAAGATTATAGATTCAATTCGGTACTGAAAAT  
TGAAATAAGTTTAACTGGTTATATCTCCGTATTGGGTTCCGGATCATTTTGCCACCTATTTAGCTGTAAAACTG  
GGACTGCCATATTATAAAGATTGAAGCCTCAAGGTGAGAGAGTTGCC

>trans\_c\_5714 BT002680|Arabidopsis thaliana At1g32160/F3C3\_6 gene, complete cds

ACACTTCAAAGATATGCAACATTGAGATCAAAGAAGCTATATCTTTGATTGAAAAGCAGACTCAAGCACTGT  
TCGGTAAACCAGACATTAGGATAGCAGCTGATGGCTCAATCGACACATTGAACGATGAAGTGATCTCTCTTAC  
ATTCTCTGGGCTGACAATGCTAGTACTGGAAGCTGTTGCCTTTGGATCATTCTCTGGGATGCCGAAAGCTAC  
GTCGAATCAAATACAATTCATCCAAAGCTGAAATCAAGTTCTGTATTTATTACATGGATGTTTATGGAAAAG  
TGTTTAAGACATGCATTTTTTGAAGATAGGTTGCTGAATATGAAGGTAAAAGCTTATGCTCCAGTCGAGTCA  
GGAAGTTGTCGGGTTTATTCAGCAATGGAGGGAGGAAAAAAGGACTTTAGGTATATTTTCTTTTGTCAAGGA  
TGTATAGTGTAATGACTTGGACAAAGACTAACTTCTGTAAATCAAATTAGGAACTGAATTAATAAAATTC  
TCTCCCCCTTCTCCAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5715 NM\_118743|Arabidopsis thaliana CK1 (CASEIN KINASE 1); ATP binding / kinase/  
protein kinase/ protein serine/threonine kinase (CK1) mRNA, complete cds

AAGATATGCAAGCATGAATACCCATCTTGGCATTGAACAAAGCCGCCGGGATGATTTAGAATCACTTGGATAT  
GTTCTTATGTATTTTTTAAGGGGAGTCTTCTTGGCAGGGACTTAAAGCAGGAACGAAGAAACAAAAGTACG  
AAAAGATTAGTGAAAAGAAGGTCTCCACTTCTATAGAGGCCCTTTGTCGTGGATATCCTACTGAATTTGCTTCA  
TACTTCATTATTGTCGATCATTAAAGTTTGATGATAAGCCAGACTATGCTTATCTAAAAAGACTCTTCCGTGAC  
CTTTTCATTCTGTAAGGTTTTAGTCCGATTATGTGTTTGATTGGACATTTTGAAGTATCAGCAATCCCAGATA  
ACTGCCCCACCTACTCGTGCCATTGGCGGTGCTGGACCAAGTTCTGGAGTACCTATGGCTATAGCAAATGCTG  
ATAGGCACACTGGTGGTGAGGAAGGTCGACCACCACCGAGTGGCTGGATAGCGGCAGACCCCTTGCGAAGG  
AGAAACTCTGGTCCAGTTACAGGTGCTGCATAACAAAAACCTCCA

>trans\_c\_5716 AF142596|Nicotiana tabacum LRR receptor-like protein kinase mRNA, complete cds

AGGTCGATGTTTATAGCTTTGGGGTGATCCTCATGGAGATGATATCTGGTAGAAAAGCAATCGACGAGAGCC  
AGCCAGAAGAAAGCTTGCACCTTGTATCATGGTTCCGCAGAATGCACATTAACAAGGACACTTTCTCAAAGGC  
CATAGACCCTTCAATCGACTTAGACGAGGAGACCCTTGTCAGCATCTGCACAGTTGCAGACTTGGCTGGTCAT  
TGCTGTACAAGAGAGCCATACCAACGGCCCGACATGAGTCACGCAGTCAATGTGCTTTCTTCTCTAGTCGATG  
TCTGGAAGCCTACAGAACCAGACTCGGAAGAGAATTTGGGGATTGATCTTGAGCTTTCATTACCACAGGCCCT  
TAGGAAATGGCAGGCATTTGAAGGAAATAGCAATGTGGACATGTCCTTTCATCATCATTCTTGCCAGTGGT  
GACAATACACAAACCAGCATACCAAACCGGCCATCTGGTTTCGCAAATTCATTTACCTCAGTTGACGCACGGT  
GAGCGATAAAGGAACTCGAGTTTCTGATTGCCCTTTAGGTGTTTTATG

>trans\_c\_5717 NM\_103303|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein (AT1G36070) mRNA,  
complete cds

TGATGCGATCTTGAACAGAAACGCCCTGGACTCTCATCCAGTCATTGTCCAGAGTGACAGATAAGTACAATGA  
CAGTTAAGGAGAACTTAATCGTGGCTGGTGGTTTTCAAGGAGAACTAATTTGCAAGTACTTGGATCATCCTGG

AGTTGCGTTTTGCACCACAATGACAACGGAAGAAAATGCAATCACAAACGCTGTCGATATATTTTCATAATCAA  
GATGGTGCATTGAGGGTCGTTGCAGCAGATAATGATGCATAAGTTAGGATTTACGATGCCGAGACTTTCACCT  
GCCTCAATGGCTTCACCTTCGGCTGGTCTGTGAATAACACCGCTGTGAGTCCAGATGGAAAGATGCTTGCAGT  
GCTTGGAGACAGCACAGATTGTCTGCTTGCAGATGCCAACTCCGGCAAAGTGATAGAGAGCTTGAAAGGGCA  
CTTGGAATTAATTCATTTGCTTCCGCTTGGCACCTGATGGACGCATTTTGGCAACTGGGAACCAAGACACGACTT  
GCAGGCTGTGGGACATAAGGAATACGTCCAAGTCCTTAGCATTACTC

>trans\_c\_5718 AB236868|Panax ginseng mRNA for ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase small subunit, complete cds

AAACCGCTAACCTGGAAGTATGGAACATTTTCAACCCCCGCTTTCCTTTCCCATCTCCCCCTGTCGCCTCTG  
TCAACAGTGCTTCCCCTGCTCAAGCTAGCATGGTGGCACCATTCACTGGCCTCAAATCCGCCGCTGCTTTCCCC  
GTCACTCGCAAGAACAACGACATCACCCTTTGGCTAGCAATGGTGGAAAGAGTTCAGTGCATGAAGACACAA  
TTGTTGTCCACTAACAAGAAGTTCGAGACTCTTCTTACCTTCCTGATATGAGTAACGAGCAATTGGGAAAGGA  
AGTTGACTACCTTCTCAGGAAGGGATGGATTCCCTGCATTGAATTCGACATTCACAGTGGATTGTTTACCGTG  
AGAACCACAGGTCACCAGGATACTACGATGGACGCTACTGGACCATGTGGAAGCTGCCCATACCACCAGTAC  
AATCGTCATCTCAGGTGGTTAACGAGATTGAGGAGGCCAAGAAGGAATACCCCGACGCATACATCAGGGTTA  
TTGGCTTTGACAACGTCCGTCAGTGCAGTGCATCAGTTTCATC

>trans\_c\_5719 NM\_001067975|Oryza sativa Japonica Group Os08g0280100 (Os08g0280100)  
mRNA, complete cds

ATGGAACGCTTGAGGTGAAAAATTCAACTCATGCTTTGTGGACTTGGCACCGGAATCAAGATGTGTACAAGG  
AAGAAAACCATGGAGATCAAATATACATTGTTTCGACAACCTGATTTGTGCCTTCCGACGACCAAGTTGAATCTT  
TCATTACTCCCTCGTTGGTGTCTCCACATCTACAGCACATAGCTACTAGGGACCTCTTTCAGGTTACTTGAA  
GGTAGTCGACATGTTTTGATGTGCGATGGTTGAGCAACTAGCTTCAAGAAGTTTCAGACCGCATCCTGCTTATG  
CACTCTTTTGTCTCCCTTCGAGTGTCCATTGAAGGACATTGTTGGTTCTTCCACTGAAGATAGTCTCTCTAAGA  
AAGATACTATATATTTTTCTTATCCAAGAAAAGAGGTTGATGTTAGCTATTTATTATTGTATCTCTTTTTAGCCG  
ATACCTATTTTAACATCTGGTATTTAAAGGATTTGAAGTTATGACCCAACCATATCACAATAATTTTGATACGAA  
TTCACATTACATTAACAAATAAGAGTACATTAATGAGTC

>trans\_c\_5720 XM\_002873779|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pyruvate decarboxylase family  
protein, mRNA

GTCTTGCATCAGACTATTTCCGAGTCTGAGGCGGAGAGATTATTGGCCGCAGCGGAGGAATTTGCACATCGC  
GAAGTGATTCTTAGAGTTCCGAACCTCGCAGATTGAGGAAGCTATCTCATTGTTGAAACATGCGGAACGGCCAC  
TGATTGTGTTTGGTAAAGGGGCAGCCATTGCTCGTGCTGAGGGGCCGTTGAAGAAGCTTGTGGAGACTACTG  
GAATTCCATTTCTTCTACACCAATGGGTAAAGGATTATTGCCAGATACACATGAGCTTGCGGCTACCGCCGCT  
AGGTCATTGGCGATTGGTAAGTGCGATGTTGCGCTTGTTGGTTGGGGCGAGGCTTAATTGGTTGTTGCATTTTG  
GCGAGCCGCCTAAATGGTCCAAGGACGTGAAGTTCATTTTGGTTGATATTTGCAAGGAGGAAGTTGAATTAA  
GAAAGCCCCATTTGGGTTTGATTGGCGATGCAAAAGAGGTATTGGAATCCATAAACAAGGAGATCAAGGATG  
ACCATTTTGTCTTGAAAAATCTCACCAAGGGTTGAAGCAATTTTCGCA

>trans\_c\_5721 AY942801|Cucumis sativus male-specific 10-2 (M10-2) mRNA, complete sequence

TCATCCGAGATATGTTTCCCTCGTTTCCCTTCATTGACTCTGATTTCTGCTCTGCGGGCCATGATAGATTAGCGT  
TTATGATCTGTCGTCGCGGAATATTGGACGCCAATGAAAAATCCGGCCAGTATGGTTGTTCCCTTGTTCTTTC  
CCTTGTTTTTCTTGTTGGTGGAGATCCAAGTTCAGGGTTTTGACCAGATGATCTAGGCCTTCTGCGGTTGTATT

ACAAGTCTGCATGGATTCTTTAATACAAGGCAAATGGGGAATTTCTTTATAAAAGCGAGGAGAAAACGATCTC  
TCGGATTTGCTGCTACCTTCAGTGGTTTTTGGCAGTTACCTTATGTAATTTTCATCAAGGGAAGGTTGATTTGATT  
AGAGTATTGTCGTGGATGTATAAGATATCAGACCGAACCACCCTATTTTATTAGGGAGGCGGTTTCTGATCGA  
TCTTTGTCATCCGACCTTTGCCATGACAGGTGCGCTTGCATGGCAGGTCAACTACGTTAATGAAAAAAAAGTTT  
TTTGGGTAAAAA

>trans\_c\_5722 NM\_001050216|Oryza sativa Japonica Group Os01g0640800 (Os01g0640800)  
mRNA, complete cds

GTTTCGTAATGTTCTGGCTGAATCCGGGTTGACTGTTTTCTTGCGACTAAGTAGAGGTGATGACCAGATGGCT  
GCATGTGGTCAGTTAGGCAAACCTGGTATTGTTCAAGCTCCTTTACTTCGTGTGCCAGATCGATTTCAAATGGC  
AATGGAATTATGTCCCTAGTTCCTACATCAAGATTAAGAAACATTGGCATCACTCCATTGACGAGGCAAAAAT  
AGTGTGCCGCCTTACGGGCATTTGTTGGAATGTATGCCTGTCTTTAGCTTTCTAGTCTTCTTGAAGGAGAAGCT  
ATGTATTACAGCCCCCTTTTCTTGGAGGCAAAGCTATGCATTACAGCCCCAGATCGAGAAGTTCAACCCCTCACG  
TTTTCTAAATTTCTTGTCATTCTTTCTGTTTTCTTTCAACTTATACCTTTTGCCAAATTTTGAATTCGTATTTA  
GAACCAATTGTATGGAAATAAGGCATTTGACAACTTGTTTAGAGTTATAGCTACCCACTGAAAGTTAAATGA  
GTTGATAATGCAAAAAA

>trans\_c\_5723 GQ997954|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6/f  
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

TGATTCAATGTAAGAAAAATTTAGTGGATTCCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAATTAAGTT  
CGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTTCTGGGTCGTCTCA  
ACCCTTGCGATGGGGCTTTAGCCCCAAAATATTGATACTTTCTGTGCTTGGGAAGCCCGTCTGTTACTAATA  
GAGTCTAGCCTATGTTCTTTAGATCCCTTGTTTCACTCCGATAGTATTATAAATCGAGTCAATGCAGAGGA  
AATGAATGCATTTTCATACTATTAAGTAAGTGAAATAGATAAAACATAATCTGTATTATGGCATATATATCACC  
TATTCTAATGGATCTTACGGAGCCTGGTCATGCACGACATGGTCAAGTCTGATCATGGAAAAGATTCTCTTCAA  
GCGAACCAGCCTACCCTCTGTATGGAGCTTTGCGGGTGGTTGGAATAAAGACACATTTTGTGTGAATCCCAA  
TGTGGCAGATAAAAAGACATATATCTACACGGTCCAATC

>trans\_c\_5724 NM\_001052013|Oryza sativa Japonica Group Os01g0962400 (Os01g0962400)  
mRNA, complete cds

GAACGAGGATCAACCTTCACCACCTTACAGAGCTCGAAAATGGCGGGTGCTGGTGGCGGAAAGGTCTCCTTC  
AAAGTCACTCTCACCTCAGACCCCAAACCTCCTTTCAAAGTGTTTGTGTTCCAGAGGCCGCCCTTCACCGCT  
GTCCTCAAATTTGCCGCTGAAGAATTTAAGGTGCCCCGCAAACCAGCGCCATCATCACCATGATGGCGTTG  
GAATAAATCCTCAACAAAGTGCAAGCAATGTCTTCTCAAGCATGGCTCTGAACTACGCCTGATTCCTCGTGAT  
AGGGTTGGAGCTGCCTGATCTTTGCGAATGTAAACAAATCAATCCCTTTATCTACTCGCCTTGTTAACTGGGT  
TAATTTGCAATCATCAAGCTGAGAGAATTTTATACGTGTTTATCACATTATTGTAAGTATTAGAACTATGTCT  
GCTTAATTAATAAATGAGCTTCCTTATTTGCGGACAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_5725 BT011812|Arabidopsis thaliana At3g48180 mRNA sequence

ATCGTTTCATTTCCGATTCTCTAATTCCTCTTTCCTCCATCAGATTATTCTTCATCTTCAATCCAAATCCATGGCT  
GCAGGAAACAACAGCTCCTACGATTGGGCCGACAGTGGGACTACAACGACTCCGCCGACGTAGTCACAAAT  
AACAAGAAGAAGATCAGCGGCAGCGGTGGAAATAGTTCCGCCAAGTATAAGCAGAAGGTCGGGGAAGGGCT  
TGGGAAGACCAAGCTGTGGCCTCTAATGGCGTCAAAAAGGTTAAAGAAGGAACCTCCCTTGGTTTTCAATG

GATTAAAGATAAATATAATAAACTGCTCATAAGAAGTAGAATTGTTTCATTCTTTTTAATTTCTCTCTGTAGATC  
TCTAGCTGCTTTGTTTTGATTAATATCTTTGAGTTCTCTGTATCTTTTTCTATTTGGTTATACAGATACACACA  
CACATATATATATGTACACAATAGATTGTTATTCTTTGTTAATATGATTTCATTTGATCTCTGTTTTCTCT  
CGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5726 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCTTAAATTTATCCAAATAAATTTATGAACATATATACAAATATAATAC  
AACTGATTGAGATATATATTGTCAATCAATTATAGACAAGAGAGGTTTCGAAAGTAAATAAGAACAAAAAATA  
TACATAACAAGCAGCCGCCATTTATTGGACAAGTTATAGAAACCGACGATATGATCAACAAGCCGTCGTGGG  
AGGCGGCGGAGAAATAAATAAAAAATCAGACAACATAACCTTTGCTCATCATGTACTTCACGAACTGATCGATC  
TCTTCTCGCCAAGCTTTCCATCTCTGTTTCGATCGGCGTAACAGAGAGCACTGTAAGCAAGATGGACCGGCAT  
TTCAGCGTCGAGTTTCTCAATGCGTTCTTGATCTCGAACAATCCTAATCCTCCGTCTTCGTTTCGTATCCATTG  
GTTAAAGATCTGTCTCAATTCTTCGAGAGTAGGCGCTTCCGACGAGACGGCCCGTGAATTTCGATTTCAATT  
CTGGACGGAAATTGGGGAATTGGATTGATTGTTC

>trans\_c\_5727 NM\_001070805 | Oryza sativa Japonica Group Os10g0188900 (Os10g0188900)  
mRNA, complete cds

ATTTGCGACTACTTGCAACCATCTGAAACAACTGAGGTTTTAAAGAACATTGCACTGAATTAATGTCCATGGA  
AGCACCGATGGACATGAAATCAGTTCTTGAACCAGAAAAGGAGGCTCTTCTCTCTACAGAGTTATTTAGG  
GATGTGGCCACCCATTCCAGTCGACCGAGACTTCTTAGTGAAGAACAACATAAATGATGATACGAGAACGG  
GAAATGACGTAGTTTCGCCGGGCAAGTCAAGTGGTATTAATATTATGGTAGCTGTTTCGTCCTTATCATTGCG  
GTTATCATTGGCTTTGTGTTGCTTTTCATGATGGGGTCATGATTCATTAACCTTAACCTTGTTATCTTTGTTACACA  
AATTTTGATAGCCAATGCCATTAGATGATAATAGGTTTTCAATAGGGTTATTTTTAAAAATAACAAAAACTA  
AAATATTGCAAAATATAACATTATCTACTTTAGACTAGATCAAAATAGATTATTATCTATGCGTGTAATAATAGT  
ATGATCGATCTTCCTTCCCTATTTTCAGCTGTATAAA

>trans\_c\_5728 AY291289 | Solanum tuberosum sucrose transporter-like protein (SUT2) mRNA,  
complete cds

ACAGCTTCATCGTTCATCTTTCCATTCCATCCAATTTTTCTCCATTACAGCTTCCTCTCAACAACTATGATTGG  
ATCTCCATTGGAAGCTTCAGATCTGTGTACGGATCTTATGTAACCGGCCGTGTTTTGCCCTTCCTTTTCATTAG  
CTCTACTCATGGCGGCCAACCCCAACTCCGTTTCCTTCAAGGTTCCCTACAGGAACCTCCACGATGCAGAAGTG  
GAGATGGTGGCTGTCGATGAACACCAGCTTCATGGGATCGATCTCAATTCTCCTTCTCTGATGGATGTCCCAA  
TGGAAGCCAACTGAACACAGTTTTTCTCTTCGCCCCATCTTAGATCTAAGCCCAATAGTTTGACTATCTTAAT  
TCTCAGTTGTACTATCGCTGCCGGTGTTCAATTTGGTTGGGCATTACAGCTTCCCTTCTAACTCCCTATATTCA  
GACGCTTGGAATTGAGCATGCATTTTCTCCTTTATTTGGCTATGTGGTCCCATCACTGGGCTCGTGGTTCAAC  
CATGTGTCGGTATATGGAGTGATAAGTGTTCTT

>trans\_c\_5729 NM\_001053686 | Oryza sativa Japonica Group Os02g0562300 (Os02g0562300)  
mRNA, complete cds

ATTATCAGTGAAGGTCAAATCCCCTAGTGTTCCAATGCCTTCCTTGAGGGTAACCTGCAGGTCACCAGTCAATA  
GAGGCCTCTTGACTTCACGCTCTTTAACGACATGACTTCAAATTTCTCCTCCGTCCAATCTTCATCATCTTCATT  
GTTAAAATCACCTTCAAGTACCACAATGTCCAATTTAGTCAAGGCCTCCTGTCCAGACGTTACTACATGGCCTG  
TGTTGGCATCAACCAGAACGACGTGAATTGCTGCACCCTGTTACCTTCCACTTCCCTCCAGTGAATAGGGGA  
AGAGACAATCTAGACCTAAAGTGAAGTTGCAAGTTTCTTCATCAGGACCTTCGATCCTTTTAGGGGAAGACC

TTCCAGAAATTCTAGCAGGACCTATCTTAGCCAAAGCACGTTCCACTTCCTCACTAACCCTCTACGGAGTATT  
GGTTCCAATGACGAGCACAGCTTTTGTAACTATCCACCTTCAGGGCTTCTACAATCACACTAGCTAAAGCTGG  
TCGCTTTCGCTCTGGCAGCTCATCTTCTCCACCCTCC

>trans\_c\_5730 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTTACAAGTCATCTTTATCATCCAAGGCACAGCAACTGAAATCC  
CTTTACCCTGTGTTTCACTAGTACTTAATTTAAACACATATTTTAGTACTTTCAAAAACACTGTTTAGTACATTTA  
CAAATTTGAACCATCAGGAACCATCACTAGTACTTGCACAAAATAGCTACAATGCGCCAAATGGGGCGAAGCC  
AATTATTGATTTATTAACCTCTTCAGTCTGATGGATCAACTATACCAATGATACTTGAATAGGAGGATCACTTA  
TGAGTTTGCTATCCTTCCCAGCTTTGAAGCAGTTGAGGATGTATAATTTACATTTAGCAGCAGGGATGTGGCTAC  
AGGCGTGAATATGAACATTTTGCAGTCGTGAGGGTCAACTTCTGCTCCAAATGATGACACTGCATCTCCCTCAA  
CATCTTCGTGCAACCACAAGTCTTACTGAGACACTGGTGTTAGGTTTAAGCCCAAGTACGTTCCAATCCGTG  
GTGATCGTACTACGTTGGCTCGTAGCTATC

>trans\_c\_5731 NM\_203197|Arabidopsis thaliana TraB protein-related (AT5G52030) mRNA,  
complete cds

TTCAACCTCTCATTCATGAACGAGATACCTACCTTGCATGGTCTCTGAAGCGTAGCAAGGCGGTGAACAAGAG  
CAAGAGGGTGGTCGGGGTGATCGGAAGAGGCCATATGAATGGTGTCATTTACGCAATAACATCGGACCAAG  
GAAACTTACGATTTGAGACCTTGCAGGTAAGAAAGCTGGAGAAGGTAATCCAATGGCTTTGTTAGCAGTCT  
CCTGAAAAGCTTGTTAGAGACACTATAATTGGTGTTATCTTGTTGGGTTTTATATGAACAATTAACAACTAC  
ACATAATACCTTAGCAAGGTAGGTGTCATGGCAACTAATTACTTCTTCCACCAATTCATATCTTTGCGAAAAA  
GTAATTAGAAATTTATACACATTGATTATGTATAAAGATACTATTTGATCCCTGGATTGTATATTTATCTATTTT  
TTAATAAATATAAAAGAATGTATCATGGATATATAATCTTTTATATACTTTATCTCGATATAAACTATTGAATTG  
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5732 AY548965|Castanea sativa ATP synthase (atpB), ribulose 1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase (rbcL), acetyl-CoA carboxylase beta subunit (accD), and PSI I-protein (psaI)  
genes, complete cds; chloroplast

TCTTTTCTTAGGCGACTTCGCCTTTCCTCCACGTCGATAAGGGGCTAACAGATCCACTACTTTAATTCCTGTTTC  
AAAAATAGATAATTTTGTATCTAACTGTATAAAAGCAGGGGCGGATCTATGAATAGGAGATGTTGTGCGAGT  
ATCTACAGGACCCAAATTATCAATAGGCTCTCCAAGCACGTTGAAAATGAGGCCGAGAGTCGCTCCGCCGACT  
GGAACACTTAGAGGAGCTCTCGTGTCAACCACTTCATTCTCTCATTAGACCATCTGTAGCACTCATAGCTAC  
AGCTCTAACTCGATTATTTCTAATAATTGCTGTACTTCACAAGTCACATTAATTTCTTGACCGGCAATATCTTG  
ACCTTTAACTATCAAAGCGTTGTAAATATTAGGCATTTTGCCCGGGGAAAAGCTACATCTAGTACCGGACCA  
ATGATTTGAGCGATACGTCCCAAGTTGTTTTTTCAAGCGTGGAACCTTCAGGACCAGAAGTCGTAGGATTTAT  
TCTCATAATAAAATGAAATATGTCGAAAGCCAGACAGA

>trans\_c\_5733 Novel Gene

TTCTCAGTCAGCATCACCTCAAGGGCCGCTCCAGTTCGCTGGAAACGGAGGGTATTCCACGACCGGTGGCTAC  
AGTATGGAGGATGATGAAGATACTAAATCCAAAAGCTATGACTACTGGAAATCTCAGGCTCACACTGGCAAA  
AGATGTATAAAATATTTGAAGCATAAAATACAATACATTGGAATTTGTCAATTACTGAAGGATTGTCCCACACAG  
TACATAAAACAGAAGAGAAAAAGAAAAATGAAGATCGATATCAAATATCAAATATCAAAGCAGAGAGA  
ATCTGAGAAAGCTGTGAATTATTTTGCAGGATTAGTTTGATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAAGAATCTGAGTT  
TTTTCTTTATATCCTTTTGATTTCTTTTTCTTCTCTTGGGGAATTTGAGATTATAGTTTCTCAAGATGTTGT

TTGTATTGAAAAAAAAAAAAAGTTATATATTTTCATCCCTTCATTTTTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5734 Novel Gene

AATCATTACTCCGTTTTCTCCTTTCCCAAACCTAATCCCCTAATCTTCTCACCCCTTGTTTTCTCCTTCTCT  
CTTCATATACTCTCTTTTCCACTCCCAAATTTCTTACCGGAGCAAAGAAAAATTAATGGAGGCGGAGACTGC  
TCTGGCGGCGATTCTCGGAAGATTGGGGCGTCATTGCTATGCGGTTTTGTGTTTGGGAGTTCTTCTCTCACGG  
TGGCTGTAGTTCACTACGTTGGCGACGGGGAGCCGACCGATCCACGCGAGCGGACCAAGCGCCGTCTTCGGG  
CCTTGCACGGCTCATCAATTCGCGGCGGAGATGGCGGCCGTCAAGTGCCTGCGGTGGTGAATTGAAGCGTCG  
TATTAGGCGGAGTGTATGCAATAATTACTAATCTTGTGATGTTTTGTAAAAGGCTAATAAATAGTTTAATT  
AGTACTGATTCTCATCGAGTAACTAAATGTAAATTACTTGCCTCGTTTTGTGTAACTCCAATTTGAGATTTTT  
GAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5735 AJ313514|Theobroma cacao mRNA for carboxypeptidase type III (CP-III gene)

TGGACTGGATGAGGAATGCCGAAGTGGGTATACCTGCTCTACTCGAGGATGGGATCAAGATGCTTGTATATG  
CTGGCGAATATGATCTGATCTGCAATTGGCTAGGCAATTCAAGATGGGTACATGCAATGCAATGGCCCGTAA  
GGAGGAGTTCGTGGCTTCTCTAAGGTCCCCTTCTTGGTTGATGGTTCAGAAGCAGGATTGCTTAAAGACAT  
GGCCCCCTCAGTTTTCTCAAGGTTCAATGATGCGGGGCACATGGTCCCCATGGATCAGCCCAGAGCTGCATTAG  
AGATGCTGAAGAGGTGGACTCGGGGCACACTCTATGAAGAATCATCTGATCCGCAAACCTTGGTCGCGGATA  
TGTGATTGCGGCCAAACCATACAGCAGTGTCTATAGTGAACATTTGTTATCCCAAGTATGTAGATATCTCCGT  
ATCTTTGGGATATGTTTAAATCTTATGTCCACGCAGTTTAACTTTATATGAAAATGAATAGCTTCGATCTT  
TTATCTTTTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5736 AB180898|Brassica oleracea S-7 SP11, SRK genes for S locus protein 11, S-locus  
receptor kinase, complete cds

ATTCTCCATTCCTTCAATTTCTTCACTGATCAGCCACATCCTTCAAATTCAAATGGCTTCTTCCCTCAAACCC  
TACTTCCAATAGTGTGTTGCTCTTTGATCTTGTCTCTAAACTCTACCTACCTCGTCTGCTGTAGTTCATAA  
CAGAGTTTCTGATTCTCTCACTAAAATTTTTACCGAAACCTCCTTCAAGTGACGGATCGTCATCAAGCTAATGG  
TAGAAGGCGAACTCGACGAACCGTTGTGAGAGATCAAGCCCAAGCTCCGAGTCCATCGACTGCAAATCGGAG  
TCAAACCTTGTCAATTGGGTTTGGCTCTATCCTAGGTCTTTTATTATTGTTACTCTATTTGTTTGAGGGAAATG  
TTACCTTTATTACTTCTTTTTTAATGAAAATTAGATTGTATTATTGTTATTGTTTATTTTCATCGAGAAA  
GTAATAGATATGTGTATTTATTTGATGAAAAGAAAATATTGGATTGTATAATATTATATATTATTTTAACAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5737 AJ583669|Lycopersicon esculentum std1 gene for seven-transmembrane-domain  
protein 1, exons 1-5, and partial dss1 gene for deleted in split hand/splt foot protein 1

AAAATTCTTCAGCTGGCTCGTCTTCTTACTCATCTCCCGACTCTTCCCTATTACCTAATTCGGCCAAGACTGTTA  
AAATTTTTCATGGCGACTGAATCCAAGACTGCGACTGAGGAAGTTAAGATTGACCTCTTTGAAGATGATGATG  
AGTTTGAAGAGTTTGAGATTAATGAAGAGTGGGAAATGAAAGAAGAAGGCAAAGAAATTACACAGCAGTGG  
GAAGACGACTGGGATGATGACGATGTCAACGACGACTTCTCTCTGCAGCTTAGAAGAGAATTGGAGAGCAAT  
ACCGAGAAGAAATGAGAAGACTTTTTTTTTTTTACTGTCTTGTATGTTTTCATCTTCTAAGATCTATGTTCAACC  
CTAGGTCTTTTGACCCATTGTGATTTTACGCCGTCTTATATCCTTGTAATGGTGGTATTATGAACATACTTTA  
GCAGCCTAAAACATCGTTTTACCTTTTTCAGATCATATAATTGGAAATTTGTGAAACGTTTAGCTCTGAAGAAAA  
CACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5738 NM\_117370|Arabidopsis thaliana oxidoreductase, zinc-binding dehydrogenase family protein (AT4G13010) mRNA, complete cds

AATGGTAAGGTCATAGACATTACTCCAACCTCTGCTGCGTTGGCGACTTTTGCCTTCAAGAACTCACCTTCTC  
CAAGAAGCAGCTGGTGCCATTGTTGATGTCTTTCAAGAGTGAGAATCTGAGCTATCTTATCAATCTGATCAAG  
GAAGGCAAGCTGAAGACAGTGATCGATTACGGTATCCTCTTAGCAAAGCTGAAGATGCTTGGGCAAAAAGC  
ATGGACGGCCATGCCACTGGCAAAATCATTGTGGAGCCATAGGGTAAACACAATGTACTTTTAAGCTGGTTTT  
GGCTTGTGTGGCTGTTGTGAAATATGTAAATGTCTAATTTAGTCCTAATGATCGTGTCTTTGTTTTGTTTTGT  
TCATACTCTTTTAAAGTTGTTAAGTTCGTCATATATGTATTTAGTATATTTTCTTTTCAAATAAGTTAGTGTGAAC  
ATGAAATGTTACAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5739 NM\_104354|Arabidopsis thaliana GDSL-motif lipase/hydrolase family protein (AT1G54790) mRNA, complete cds

CAATTATTCACGACTGGGGTTTCAACAACCTATTATGGTTTGCTGTGGCTATGGAGGTCCACCTCTTAACACG  
ACAGTCGAATCGTATGTGGACAAACGAAGATGTTGAATGGGACATTGGTCACGGCGAAAGGGTGTGATGAT  
AGCTCAGAGTACATCAATTGTATGGAATTCATTACACTGAAGCTGCAATCAGTATGTGTCATCACAAATACTT  
ACTGGGAAGTATTCTGATCCACCCTTCTCAGACAAAATGCCTTTCCTTCTCAAGCTCAAGTTCTAGTTCCTTTT  
ATATTCATTACCCAATTGATAACTGATTTATATGTCTAAATGTTAGCATTATATATTTGGGATTTCAAATAAG  
ATCTGACCAGGGGTACTCGATGAACAATGGATTTATGTTTCGATGTTGAATCAAATAATCCATTATCTCAATTC  
ATTTTATGGCTCCTATTTCAAGATTACAAACACATTACATAATGGGTATGGATAAATCAAACACTACAAGTGTTT  
TAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5740 AL161580|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 76

TCTTCTGTCTCTTTAGCTGTGTTGTGAGAGAAACCATAGAGATGAAGCTTTCTATTGCTTCTTCTTCTTCTTCT  
TCTTCTCTTGCTTGGAGATATTGCAATAAGCCATGGCAGAAGCAGGAAAGAAGAAGGAGAATATTGGAAAAA  
GATAATGAAAGAAGAAGCACTTCCTGAAATGCTCAAAGAGCTATTATTAGAAGATGATGATTCTTCAATAGTG  
GAGTACAATAATAAGCAACAAAAGGAGCATTTTACGACCAACTTTGATCCTCATCCAAATGCTATAATTTATCA  
TGCCCATGCCCATGCCCATGCCCATAACAGTAACCCACACTTCCAAATTTATCCCCATGAATCTTCTTATTTCT  
CAAACATATCCCTCTAAAAACCACAAAAATGTTTCCTCATTTTAATTATTTATCACACCATATATATATATTTA  
TATTATGTTATTAATACTATTATGTGTAAATTTTAATATATTTAGTGTGTGTGGTTTTCTACTTTTCTATAGTTCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5741 Novel Gene

AAGTCGGAATCAGATCGTCCGCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCGAAATCTTGTACTGAGAAGATG  
ACTCGAGGAAAGCAGAAGATCGAAGCTCAGAAACGAAATGCGGAGAAAAATCAGAAGCCCAAAGGCTCACA  
GCTTGAGGCCAGAGCCGTTGCCCTTAAAGTCATCTGCCCGATTGCAAGGTACAACCTTGCAAATCAGAACCAG  
TTGGGTGATCATTATGGCTCCAAACATCCAAAGGAAAAGCCACCATCAGAATCTGGTTGAATCTTCGGTTGCA  
AGTTGAAGTATGAGTTGCTTATTGAAGGCATTTCAAAGTTCTTCTGTTTCAGATCCATGAAAAATTTCTCTG  
ATCGTCTTCAACTTTCCTGTTCTTAAAATGTACTTGTAAAGGGTAAAAAACGATTGGTCATTCTGTCACTTG  
TAAATAAAATAGACACTAATATGCTTTTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5742 AY661558|Hordeum vulgare subsp. vulgare eIF4E gene locus, complete sequence

TCCCACAAAATTGGTTTCTTATCCCTCCTCTTTCTCTCCGTCTCTCTGTATCAGAGATTTGCGATCACCATACCCA  
GAGATTCCAATCGATCTGCATAATTTCTCGACCATGGCTTCACAAGTTGTGTACGGACTACTTTTCCTCTCCTTC  
TCCTTCACTTGCATCATGCTCCTCCACTTGGTTCTCCATCCTGTTTTCTATTTCACTTCCTGAAACCTAGTATCTTT  
TTGAAGTTTCGACTACACAAGGTCGATCAATTTCAATCAATGGAAGTCGATTTCTAAGTAATAGAAGTTCTGAT  
TCAAGGAAGATGTAGAAATCTGGTGGTTCGAGAAACGTTATGTTCTGTTCTCTTCTCTTTCTTCTCGGATCTTAC  
GAGTGTGTTGTAGTTGATTGAATATTTTATTGTTTGTGTTGCAAAAGATGAAGTAGATTTGAAATATTTACACA  
TTATATATATTCTTGTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5743 NM\_129907|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L38 (RPL38A) (AT2G43460)  
mRNA, complete cds

CTCGTATCCTCACCTCCCAACGCCGTTCTGTATCACATTTCTTCTCCCTCACCACCCCTAAAAATGCCAAAGCAA  
ATCCATGAGATCAAAGACTTTCTTCTCACTGCAAGAAGAAAGGATGCCCCGCTCTGTCAAATCAAAGGAGCA  
AAGATGTAGTCAAGTTTAAGGTTGCTGTTCCAAGTACCTTTACACGCTCTGCGTCTTTGACTCGGAGAAGGCT  
GACAAATTGAAGCAGTCTCTCCACCAGGTTTGAGTGTGCAAGATCTTTGAAGAAGTAGTGAACGAATTTTGG  
AGATTTATATGGAAAAACAAGGGCTGAAGGAAACGTTTGCCAGTTATTTTTCTTCTTATTTTCAATCATCTGCT  
GTGTTGAATGTTGCGATTTTATAGGGACGGCTGTTCTTGTCACGAGTAGGAGTTGGACTGAACTTTTAGCGT  
TTCTTAAATTTTATGAACGTTCTCAGATTTTGAAGTGTGAGATTTGTCCATCATTGAATCACAACCTTCTATCA  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5744 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGTATGTTTGTCTGTAATGAATAATTGTAAATCCAAGTAACAATT  
CATACATCTTTTTCACTTTATTTAAGGAAAGATTATTGAGTCTCTTAAGTTAAATAAACTAGGCAGAAAATGCT  
GATATGTATGTATTGTTATTATCTATTTTTATCGTTTTATTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTAGATCTATCTAATTG  
ATGGGTTAATCCCGAATATACATTTATTTATCATAATCAAATGTAATAAATCCTTTACAAAAATTTATTCAAATA  
ATATTATAATATAATATTTAGGTAGTAAATTTCAATCAAGTAAATCTTTTTAATTATTTCTTATGAGTCCTTGGT  
ACTCGAAGAAGTGTTAACTCGTGAATCCATTCTATGAAGAAATTGAAAAATGGAGATTCTTAATTATTCGTAT  
AAAAAATTTTCTTAATTGATTTTATAGAAATTTCAAAAAATCTCTCTATCTAGGAAATATCTATATATAGAGA  
AATAAATATTGCACTCATA

>trans\_c\_5745 AF190450|Avicennia marina enoyl-CoA-hydratase mRNA, complete cds

ACTTGAAGAAGGCATCACCAACAAGTCTCAAAATCTCATTGAGATCGATCAGAGAAGGTAGACTTCAAGGTGT  
TGGTCAGTGTCTCATTCTGTGAATATAGAATGGTTTGTCTATGTCATGCGGGGGGAAGTCAGCAAAGATTTCGTG  
GAGGGTTGCCGAGCTATTCTGTTGGATAAGGATCGGAACCCAAAGTGGGAACCCTCCAGTCTGGGGCTTGTC  
ACTGATGCTATGTGCGAGAGGTACTTTTCTAGGATTGAAGACGAAGAGTGGGAAGACCTACAGCTCCCTGCAA  
GAGCCAACCTGCCCCGCTTCAGCCATTTCAAAGCTCTAGTTCCCTGAGTTCGCTAATTCCTTGATAAATATATCT  
TAGTTCTTGGCTAGTTGTTTAGGTTTATTCGTGGTGGATGGGTAAGTGTGAGAAATAAGCCTTCCCACTCTTAT  
TCTGCAAGCACCGAAAATATGTAAATAAAGTATTTATGTTATTTATGAGGAATCGGTAATAGATTTATTTTAT  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5746 Novel Gene

AGGAGAAATAGAAGTCCAGTTAGGGAAAGTAGTGCTGAAAGAAGGGCTAAGATTGAACAGTGGAAACAGGG  
ACAGGGAAAAGGCAGATAATGGTAATAATCATCAGGATGTCAAGGATGTTGGTGGAAAGCAATGACCTAGTAC  
AAAATGAAGATGAATTTGATCCTTCTAAGCAGTTCTAGAGAAAATGGTGGATGCGGGTGCTTGCCCGAGAAA



AATTTTCTGGTTTGGCTGTAACTGGAGGATTTGCAGGATTTGATGTCATGTTTCGTTGGAAACATGAAGGAA  
GCTTCTCTCCACAACCTTCTGCAATGCTGAAAAATGTATGTCCTCGTTAGGTTGAATTTCCCCATCTCGTAATGA  
AACTAAGTTAAAGGATTTCTGAGACATAAGTAGATTTAATCTCGTTTTCTTGTTTGGAAATTGTGTTGTATCTCCA  
AGATTTTATTGACGTTTTTCAGAGAGATACTATTGAGAGCTGCCTACGATAATAGTTGAAGTTTCCTTTTGTTC  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5747 EF411203|Solanum tuberosum WRKY protein mRNA, complete cds

GGGAGCTAATTCCTCTCCCTTGGGTCATCACCAAATTACACAACCCGCAACTCCAGCCCAACCTGGTGGTGCTC  
CTTTTGCTGACACGTTGAGTGCCGCAACGGCTGCTATCACCGCTGATCCCAATTTACAGCCGCGCTCGCCGCC  
GCTATCTCCTCATTATCGGCGGAACCCATCCCAACAATAATAGCAACACCAATACCAGTAATAATACAACAAC  
CAACAACAACGGAAGCAGCAACAACAACAGCAAAATTAGCAGTTTTCTGGAAATTAAATTATCAATTAGACC  
CATCAAAATTACAGTTGGTTAAATTTTTTTGTTTCGTATATGATCCCTAGTGGGAGTCAGTTTTTGTCTTTTCTTT  
GTCATCTCCATCATGGAGATGGATAACATGTTCACTTTTTTTTTTTTTTTTGTGTTTTTTGGTTAATTTGGG  
GAAAAAACATAGAACACGGCTTCATTATTCTTTTCAATTGTTTAATTTGAATAAAAATTAATAATACATACCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5748 Novel Gene

ATAAATTCTTGATTGCATCAGGAATCCCATTTTGTTTAAATTCGGTATGGATAAAAGATCTTCCTATGTTATACT  
ATTCAATTCTCGACGATGAATCGATTGATAGCTCCGATATTGTTATTCATGATATTTAATACGATTCGATATC  
ATCGAGATGCAACGCATCCCTTGAATTTACAAGCGAAACATTTATCATCTCTATGGGATTAAATCCCGAGTTA  
TTGCGAAGCGAAAATGAAACGATGATATTATGGAAGTAAATATTCTCGCATTTATTGCTACTGCACTGTTCAAT  
CTAGTTCCGACCGCCTTTTTACTTATAATATACGTAAAACAATCAGTCAAAGTGATTAATTTGAATTAACCTTG  
ACGTTTTAGTTCTTATCAATGATTGAAGATAAGAAAAATGAAAAGCATTAAATTTTCGCGTCTTAAATGAAATT  
GGCGGACTAGAATTATCAGTATTCTACGAGAGAAGTATTCGATAAGATCCGATAGTATGGTAGAAAGAAATA  
TATACAACGACTCGATTACCATTTACGAG

>trans\_c\_5749 EU922319|Geranium palmatum NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 4  
(ndhD) gene, complete cds; chloroplast

AAGATCGCGCCCCATCTAAACCTTTTCTTTTCCCTCATAGAGGAAATAAAAGTAATGAGATGGTATACTATATG  
TATCTGTGTACTCGAGCTGCTTCTAACAACCTATGCGTTTTGTTATCATTTTGAATTAGACGATCCATTAATCCA  
ATTGATGGAGGATTATAAATGGATCCCTTTTTTGGATTTTACTGGAGATTGGGAATCGATGGACTTTCCATAG  
GACCCATTTTACTGACGGGGTTTATCACCCTTTAGCTACTTTAGCGGCTTGGCCAGTTACTCGAGATTCCCGA  
TTATTCCATTTTCTAATGTTAGCAATGTATAGTGGTCAAATAGGATTATTTTCTGCTCGAGACCTCTTACTCTTTT  
TTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATTCCCGTTTATCTACTTCTATCGATGTGGGGCGGAAAGAAACGGTTGTAT  
TCAGCTACCAATGTTCAATTTGTACACTGCGGGAGGTTCCATTTTTTTGTTAATGGGAGTTCTGGGTATCGGTTT  
AATACCAAGTAATGGGTTGACAAACC

>trans\_c\_5750 Novel Gene

AACTCTCAACGTCAATTTTCAGATCCCTTCCATACGTCTCTAATATACGTTCTCTAATCTCTACATCAGGCTTCGAC  
AATGTCAGGACGTGGAAGAGGTAAGGGTTGGGGAAGGAGGAGCAAAGCGTCATAGGAAGGTTTTG  
AGGGATAACATTCAAGGAATTACGAAGCCGGCTATTCGCCGACTGGCTCGTAGAGGTGGAGTTAAGCGAATT  
AGTGGTTTGATCTATGAAGAACTAGAGGTGTTTTGAAGATCTTCCTCGAGAATGTGATTCGTGATGCTGTGA  
CTTACACAGAGCACGCTAGGAGGAAGACGGTGACCGCCATGGATGTGGTTTATGCTCTGAAAGGCAGGGA  
AGGACCTTGATGGATTCGGTGGTTAGGTTTTTTATCGATTGATTTGGATCTTTGCTTTAGATCTGTCATCTCTT

TACTTGAAGTGTTTAGTTTTAGGATTTTATGTAACCTTACTCTCTTTGTTTCAGAAATATTAAAGCTGTTTTGATT  
GTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5751 AJ001091|Glycine max mRNA for magnesium chelatase subunit

CGAGATGGCTCTGAGCACAGCTGATGCCACATTCCAAAACCTCGACTCGTCCGAGATCTCATTGACCGATGGC  
AGCCATTACTTTGATTCTGATCCAATAATTTGGTTCAAGGTTTGACAAAGGATGGGAAGAAGCCAAATGCCT  
ACATTGTTGATACCACTACGGCAAATGCTCACGTTCCGACGCTTGCTGAGACGGTGAGACTGGATGCCAGAAC  
TAAGTTATTGAATCCCAAGTGGTATGAGGGAATGATGTCGAGCGGATATGAGGGTGTCCGAAAAATCGAAAA  
GAGGCTAACCAACGCGGTGGGATGGAGTGCAACTTCTGGGCAAGTCGACAACCTGGGTTTACGAAGAAGCAA  
ACACGACATTCATTCAAGATGAGGAGATGCTGAACAGGCTGATGAAAACCAATCCGAACCTTTTCAGGAATTT  
GGCGCATACATTTTTGGAGGCGAACGGCCGGGGATATTGGGAACTTCAAATGCAAATATCGAAAACTGCT  
AGCATTGTACTCTGAGGTTGAAGACAAGATTGAAGGGAT

>trans\_c\_5752 FN908098|Vitellaria paradoxa subsp. paradoxa chloroplast trnQ-psbK IGS, psbK gene  
for photosystem II (psII) protein and psbK-trnS IGS, specimen voucher VPPTCS007

AAATTAGATTGTTGCTCAGATTTTGATACGTTTATAGCGAACATTAACTCAATTTATTGATCATTACATATAAT  
TCCATTAAGATATTGTATGAAAGTAGGATTTCTTCTATTCTCGTTTTATTGAGAATTGAAGGATTTTTGATTGG  
CTGAGTTCAAATCAAAGAAAGGTTTTTGACCTACTTTATGTTATTAATTTTTCCCTTATCCCTTATATCATAGCA  
ATAATAGGGGATTAATAACTCAATCAAATCAAAGAAATACAATTATCTTCAAGAACAAAGAAAAAAAAAATTG  
TTATGCTTAATATCTTAAGTTTCATCGGTATCTGTCTTAATCTTTCTTTATTCAAGTAGTTTTTCGTCGCCAAA  
TTGCCCCGAGGCCTACGCTTTTTGAATCCAATAGTAGATGTTATGCCAGTAATACCTCTATTCTTTTTCTATTA  
GCTTTTGTTTGGCAAGCTGCTGTAAGCTTCGATAATTTTTTAATACTGTCCGAGACAAATTCATGATTACTA  
GAATGTCAGTTGTTGTGTCC

>trans\_c\_5753 DQ460096|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP fragment HN\_BC2M32-212 sequence

AACTGGACTTTTATACATCAATTCGTGTTGGAAGTGGAAGATCTGCAGAAGAAGAATAATGGCGCTGATGAG  
AGGAGAACCCCTGCTGAGGAAGCTCGCCGCGCTCGCTCAGTACGTCGTTCTTCCGGGAGCCATGGCCGCCGC  
TCTCATTTACTCTCTCCCGATTACATCTACTCCAAGAAAGACGATAAGTCTTCAAATAGGACTCTTTCCCTTC  
TTTACCAGAACGGACCACCTGATCATGTAGGCTTGATCTGCAGTGTGCTATTTCTTTATGTTGATAATGGTG  
TGTAAGTGGACTTGTGTCATGTCTCAATAACTAGTCATTTGTCTTACTTTTGTGGCTTCGCCTTGGGAGAAATAA  
TAATCATTTGTTTCCTGAAGGATAAGCAAGACGGGAAGTATAGATTTTTTTTTCCCTCTCTTTTCTCTTTAT  
AAATTTTGAAGAAATCTATGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAC  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5754 Novel Gene

CATAGCTAAAAATTTAGGTGGTCAGACTTTCCCATGGACTTGCTTATCAGGCGAGGATGCCTACAATCTTATG  
TCGAATTGCTAAGGACAGAAGTCGGATATTGAGAAATGGAAGGTGGGGGCATCGAACACGGTGCTTCAAAT  
TTGTGTTCTACAATATCAAATAAAGCTAAAGACATTATTATGCCATAGTGAGAAATGAATGTTGGAAACCCA  
AGCTTGTTCTTCCAATGATATGGTGAAATAAAGAATTATAACATTCACATCTCACATGTTGAATTTAGCTGAA  
TAATATCTATGGCTTCTACCAAGTTGTACTAAACAATTGGAAAAGCACAGAATGTATTTTTGGTTTGGTATTTT  
AAAAGGAAGATATGTGGGAATGTCAGTCAATGTTGTATTTGTTTATACAGAAACAAGAAGAAGAAAAAGT  
AACATCAGGGTTTGGCTTTGGATGAACTTTAGTACTCATCAAATTTACAATAAGAAAAGTGTATTATTGTGCG  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5755 EU494958|Actinidia deliciosa xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 13 mRNA, complete cds

AATCCCTTCTGGTATGACACCGTCTCAAAGAGCTAAAATGGAAAGCCTCAGGAAGAAACACTTGACATACTCC  
TATTGCTATGACCGCATCCGCTACAAGAACCCTCCATCAGAGTGTGTGATCAACCCTGACGAGGCCGAACGAC  
TCCGAATCTTTGACCCTGTCACATTTGGTAAAGGAAGACGCCATCGCGGGAAAATCCACCACCACAGCCACCC  
AAGACAGGCAGAATCGGCTTCTGCTTGATCATTAGCATTGGTCTCATGTGGGGGGTTATTTTCTTGTGTATAG  
ACGACGACCGATGTCAGTCGATAGATTTCTTGAGGGTGATAGAAAAGAAGAAGGTGCCATAGGAGATCCACA  
TTGAAGAGCATCTGTATAGTTCTTTTTTTCATTTACACGTTTCATTACATTCTTGGGTTCTCTATTACAACATT  
CACTAGTATTTGATGGGCTGCTGTTTGGGTTTCTACAATATTGAATTTGGTTCCATATTTTGTGTACTATTTTATT  
ACACCCTCATATATTTGAATAAAAGACT

>trans\_c\_5756 AY058869|Arabidopsis thaliana At2g01970/F14H20.4 mRNA, complete cds

ACAGTGGGTCAGGCTCAGGCTCAGCAAACAAACCCCCGGCTAAGCCTTAACCGGCTAACCCAACCCCCTCGAC  
ATCCGACCTTAAACGCCCTCTCCCCCGTCATTTTTTCTAAACCCCCTTATTATCGCAATCCCATCCATTCCC  
CTCTTCCATTTCCCCCTTCTTCTCTGTCCACTCCCTGTCTCTATCTCTCTGCTTCCTTACAATGGGAAGATTG  
GGCGGTGCCTTTCATCGCCTTACTTGTTCTCCTCTGCGGATCTGTTCCGGTGAGATCTGATGGATCCGACCAT  
CGCTACAAAGATGGAGATCCTGTTCCGCTCTATGCTAACAAAGTTGGCCATTTTCATAATCCCAGTGAACTTA  
CCGCTACTTCGATCTCCATTCTGCGTACCAGATGACGTGAAGGAGAAAAAGGAGGCTCTTGGTGAAGTATTA  
AATGGAGATCGTTTAGTTAGTGCCCCATACAACTTGACTTCTTGAAGAGAAGGATTCTTCTAGTGTTTGCCA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5757 BT029337|Arabidopsis thaliana At3g01960 mRNA, complete cds

AAACATAACACACATTCAAAAACAAACTTAACCATAGTGAACCTCATCATCCAAAGAAAAATAATGGATTCAA  
GATGCAGAGCAAGAGGTCTTGTAAGGCATGGTTGGTCTCTCCATGGGGAAGCTATGACTGGCAGCAGAA  
AGATGGCGCCCACCACGTCGAATGCTTCGCTATGCTCGAGTCATATTTTGTTTACAGTTCATCATCAAGAAAGG  
GTGATGATGGCTCCATCGAATCGTCGAGTACTTGTTTCATGATCAAGCCATGAATAATGTTACGAAGCGACCT  
TGTGGAACCTTTATGGTGTTGGCGTGGATGAGCATATCGATCGGAAGGCCGCTTTGTACATATCATCGGTGCA  
AGAACGCTTTAACTTGAGGGTTTAATAAATTGATATATAAGGCAAAATAGATCAACAATGATGTTTCCATCGT  
CTTTTTTATGTGCAATAACAATAATTTTTTAAAGTTACTTGTTCTTTGGTACAATTGAGTTGTAATTGGGTTT  
TTTTTTTATGTTAAAAAAGTGATTGCTTTA

>trans\_c\_5758 Novel Gene

CAATCCCAATAAACGCGGCGATCGGATTATTGCCTCAGACGATGAAACAGAAGATGCAGAAGCACCATTTCAT  
CCAGAAGCTGTTTGGCATTCTTCGTATATACTATACGCTTCTCGAATTTATTAGACGAGTCACTCTTGAATCAT  
GGCTGGTGCTTACAAGGAAACACTCTATTCTAGAACTCCAATAGTTACCTTGCTATGCATCTCATCTTCAGCT  
CTTTTCTTGTCTCAAGAAGCCATTTATCAAGAAAAAGGTTCAAGTTGGTTGAGATCATTTCCAACACATGTG  
AAGTCGGTCTTTTCGCTATTTGTGCAGTTCTCTTAGATAACGAATTCTCAATCACGAATCAAACAAGACTTGGA  
ATAACATTGCTGTTGCTGTTCTTATAGGCTACTTTCCACAATTGATCAATGAATGGTATGCTTTGTACAAACAA  
GCAAAACAACCTTGACTTCGCTGGGCAATCATTCTTTTCAGGACTCAAGGTGGCATTATTTGGATTCTCTCTCT  
GTTTCTCCACAGAGATTCACTAAA

>trans\_c\_5759 Novel Gene

AGCAGTTGGCATCTTCAGCTCCATGGCGGGGGGAGGAGGAAGTGGATGAGTTCGCCGAAGCAAAGCTTAAA  
GTGACTAAGAATCCTGGCGAGACTTCGGTAATGCACGTTCTCGGAAGAAGAGCGTCAAGTCCAAGAGCACA  
AAAGAAGAGGATGATTCCCTTGAGATTGACCCTGAACTTCGCTACAGTTTCCAACGCAATTACCAGTTTCTTCA  
ACGAGTATTTAGCATTGACACGATTGTCAAACCTCTCCACCAGCCATGGCTTACAATGTCTCCCGGAATTTGA  
ATTTCTTCACTCGAATTTTACACAGTTCTTCGACCCTGAAGGTATTGCAAATGCTCAGAAATCACTTGGACTGG  
GGCAGGAAGAGAAAGCTCGCCGTGTTGTTAATTGGAGAAGGGATATGGCTGGAAGTTTGATGAATTTCTTT  
AATCAAGTGTATTTGGATTCAAACATTGTGAAGAGTTGTAAATGGGATGCTGCATTATGCATAAATTTGTTCA  
ACTTCAAGTTTAATTACATCAGTTGGGTTGTTG

>trans\_c\_5760 AJ428413| Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CGAAAGATGGTTATCGGTTCAAAGAACAATAGCTAAGGGTCTGATACTACCACTTGGATCTGGAACCTTCAT  
GCTGATGCTCACGATTTTCGATAGCCATACTAGTGATTTGGAGGAGATCTCTCGAAAAGTATTTAGTGCCCATTT  
CGGCCAACTCTCCATCATCTTTCTTTGGCTGAGTGGGATGTATTCCACGGTGCTCGTTTTTCCAATTATGAAGC  
ATGGCTAGGTGATCCTACTCACATTAGCCCTAGTGCCAGGTGTGGGTGCCAATAGTGGGCCAAGAAATATTG  
AATGGTGATGTAGGCGGGGGGTTTCGAGGAATACAAATAACCTCTGGGTTTTTTCAGATGTGGCGAGCATCT  
GGAATAACTAATGAATTACAACCTATTGTACCGCAATTGGTGCATTAGTCTTGCAGCCTTAATGCTTTTTGCT  
GGTTGGTTTCATTATCACAAGGCTGCTCCAAATTGGCTTGGTTCCCCCGTGCTCCGAACGTGGTCCGACAAC  
GGGCTATTTGAGAAGCTTCACCAAACCTCC

>trans\_c\_5761 AJ428413| Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AAACCCTAGACGCACGAGGAACACCGAGGGTGTCTAAGGGTCTAATGGTTTGGACTTGAGTAGACTGAAA  
AAAGACATCCAACCTTGGAAGAACGACGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCTCCTTTAGGTTCTTTAAATTC  
CGTGGGGGGGCGTAGCTACCGAAATTAATGCAGTCAATTATGTCTCTCCTAGAAGTTGGTTAGCTACCTCTCATT  
TTGTTCTAGGATTCTTCTATTCTGATAGGTGAGGGCGTTATGGCATGCAGGAAGGGCTCGTGCAGCTGCCGCAG  
GATTTGAAAAAGGAATTGATCGTGATTTTGAACCTGTTCTGTTTCATGACTCCTCTTAAGTACAGGCGATCT  
AATGCTTGAAGTCAAAATCAATTGGATTCCACCATACATATCAGGTTGGACAGATCGGGTTATATTTTAAAGT  
CCTCCTTTTCTTTCTTCTATTCTATCTAATCTCATGGGGCAATTGTCACTGCTTATGGACCCGAACCTGGGTG  
ATCTATCCATGACCAGGATGAAGCTTGG

>trans\_c\_5762 GQ997998| Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TTCAACAGGCACGCGGTCAGAGTCTGGTCTCCTCCCACTGCTTGGAAGCTTACGGTTTCATGTTCTATTTTAC  
TCCCCGATGGGGGTTCTTTTACCCTTCCCTCACGGTACTACTTCACTATCGGTCACCCAGGAGTATTTAGCCTT  
GCAAGGTGGTCTTGCTGATTCACACGGGATTCCACGTGCCCCATGCTACTCGGGTCAGAGCGTAAGCTAGTG  
ATGCTTTTCGGCTACTGGACTCTCGCCATCTAGGGTGCAGCACTCGACCGCTTCGCCTAGCAGCACGACGCTTG  
TATTGCTCTCCACAACCCCGTTTTACGGTTTAGGCTGCTCCCATTTGCTCGCCGCTACTACGGGAATCGCTT  
TTGCTTTCTTTTCTGCTACTAAGATGTTTCTTTTCGCCAGGTTGTCTCTTGCTGCCCATGGATTCAGCAGC  
AGTTTGAAAGGTTGACCTATTCGGAATCTCCGATCTACGCTTATTTGCAACTCCCCGAAGCATTTTCGTCGCT  
TACTACGCCCTTCTCGTCTCTCC

>trans\_c\_5763 Novel Gene

AAAGGAAGAAGCTTTTGTATCTCTGAAGCTTCCAGGCAGGGCTCTCGAATCAAGCCTTCTTAATTCTCATCTC  
TATCCGTTGCATGAAAGGTTTTCTATAACCATGAATTGGATACAAAGGAAGATCTACCTTTATAATGTCACATT  
TGGGTTGTACATGTTGGATTGGTGGGAGCGTATCCTCTTCAATACAATGGTGGTTGTGCTGATGTGGTTTCATG

TTTTACAATGGGTCACGATATGTGAATGATATGTGCAAGAGGTATCTGTGGCAAGCCAAGGTGTAGGAGAAG  
TCCAAGGCTGTCATTAATTTGGATGCAATTTTGCATGCTTATCAATCTTGTAAGAGATGTCATGTGCTTTGTGT  
ACGGTGTAGTTTTCCCTTTTTGCTTTTAGATAAGCTTCTCTGTTTCTTGAATTTATAGAACAACTTCGTATTACA  
CACTTGAGATCTGTTTTGAACTGATTTTCGTATTGCAATGAAATGCTCTGATGAGTTATTAGAGTGCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5764 FJ719369|Gossypium hirsutum cultivar CRI12 NADPH:cytochrome P450 reductase  
(CPR2) mRNA, complete cds

CAACCACCACCACTTCCGTCACCGCCTTTCTTCTCCGCCGTCGTCCAGCGGAGTTCGGGCATATTCTTCGCTGCT  
CCTATTCACATTTTTTACTTCAAACGGTTTCTCCATTCTTAACCGGATTCCGGTGGTCTCTTAATTCCTTGGCGA  
TATCCTCCACCGGATTCCAGTGAGGTCTTTAAGTTTCTTTGGATTCCGACTCCATCATGCAATCGGAATCCAG  
TTCTATGAAGGCTTCTCCATTGGACTTCATGTCGGCTATAATTAAGGGCAGGATGGATCCGTCTAATTCTTCAT  
TTCAATCGACTGGCGAGGGTGCCTCAGTTATTTTCGAGAATCGCGAGCTGGTTGCGATCTTAACCTACCTCGATT  
GCTGTCATGATTGGCTGCTTTGTTGTTCTTGTGTGGCAAGATCCGGAAATCGAAAAGTTAAGACTATAGAGC  
TTCCTAAGCCGTTGCTTGCGAAGGAGCCAGAGCCAGAAGTTGACGACGGGAAGAAGAAGGTTACGATATTCT  
TTGGTACGCAGACTGGGACTGCCG

>trans\_c\_5765 AY527169|Citrullus lanatus var. lanatus NADH dehydrogenase subunit F (ndhF)  
gene, 3' UTR; chloroplast

AAAAGGATTCCCTCCCTTCTTCGCCGGACAAAATCGATGAAACGGAAGAGATCCGAGTGAATGGAAAGGAAA  
AAACAAAGGATGAATTCCACTTTAAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAACTTCTTAC  
CCTCCGGATGGAAATAAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTCTTCTGGTTTGAAA  
AACCTCTTGTGACTATCCTTTTCGACTATAACGATGGAATCGTCCAGTTCGATATATAAAAAATGATAAATTT  
GAAAATGCTGTTAGAAAAAACAAAGTAAATTAATAATATAAACTAACTAAATAAGCTAAATACAACAAGAT  
ATAAGACGAGATTCGACCACCTCCTACATATTTAATACTTTCTGCTACAAAAAATTAAGAATACCCACCGCAT  
TGATAATTCCATCAATTATCCGTCGATCAAAAAAATAAGTTAATTCAGCTAATATTAAATACGAATGCCCCGA  
CTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCC

>trans\_c\_5766 AB236868|Panax ginseng mRNA for ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase small subunit, complete cds

AGACGCAAGGTGCCCATCAAATGGCTTCATCCATTCTCTCATCCGCGATCACTGCCTCTGTCAACAGTGCTTCC  
CCTGCTCAAGCTAGCATGGTGGCACCATTCACTGGCCTCAAATCCGCCGCTGCTTTCCCGTCACTCGCAAGAA  
CAACGACATCACCACCTTTGGCTAGCAATGGTGGAAAGAGTTCAGTGCATGAAGGTGTGGCCACCACTTGGATT  
GAAGAAGTTCGAGACTCTTCTTACCTTCCTGATATGAGTAACGAGCAATTGGGAAAGGAAGTTGACTACCTT  
CTCAGGAAGGGATGGATTCCCTGCATTGAATTCGACATTCACAGTGGATTTCGTTTACCGTGAGAACCACAGGT  
CACCAGGATACTACGATGGACGCTACTGGACCATGTGGAAGCTGCCCATACCACCAGTACAATCGTCATCTCA  
GGTGGTTAACGAGATTGAGGAGGCCAAGAAGGAATACCCGACGCATACATCAGGGTTATTGGCTTTGACAA  
CGTCCGTCAAGTGCAGTGCATCAAAAGTAG

>trans\_c\_5767 AY077642|Cucumis melo galactinol synthase (GAS1) gene, complete cds

TGGAGACGGACGCGCGCATAGCAGCAGAAGGAGCTGTGATGTGGTTGACAACTTCAGCCTCAGACAGAA  
CAGAGATCAAAGGTGTGAGGTTAGTTTCTTGTTTAGTTTCAGATTTGAGAACATTTTGGTAATCCAAAGATTCA  
TCTTCATAAACCCCCCACCATTTCTCACCAGCATTTTATGTCTTCCCTGTCCATGTTCTCTTCTTTCCCGTGTA  
CCTCCATGGTTTCGATCCCGCTGCACAATAGTGGACAACCTTGACTTTGTGACGTCAATGTTCTCAGGATGAC

GCCACAACATGGCCATGACGAGGTTGTAAATGGGAGGAATGGGCTTGTATATGTCGTTGAAGTACATGTTCA  
AGAAGTCCTGCTCAGCAAACAAAGTTGGAGTAGTGGCCTTGCAAGTCTCAAGAAGATCCTTGTAAGTGAAAA  
GATCAGGTTTCATACACAAAGAATCCAGCATTGAAGTAAAGTGGTGGTGGGTTTCCATTTCCTCCACAGGCCA  
TTTCACTTTGTCTGGGCATTGTTGGCAAT

>trans\_c\_5768 NM\_123697|Arabidopsis thaliana COP1-interacting protein-related (AT5G43310)  
mRNA, complete cds

TTTTCTTTCCACTGTTCTTACTTGGGAAAGGTGATAGCAGGGAAAATGCACGAGAGGACTTTTGAGTTTTGCTA  
GCAGTGGGGGTTTCGTCTTGAGATATCAGATTTTTTCAGCGTAGGAACCTCATCGTGAGAAGTGGTATTAGTCC  
CAACGTCATTGGCTTCAGAATCATTGTACTGATATTATCTGATTCATCATTATGCTCGTCTGTGGTTGGGCTTT  
GATTCTTTCTTCCAAACTTCAGTAGCAGTCTAAGTCCCTTTGATGATTTTTTTACCTCAGGCTTCTCCAGTGCTTC  
AGGAATCTTTCCAATTGTGCATCTCCATAATCAGGAACATAAGCTTTTGTTGTTCCAGAGCCTTTTGCTGCACT  
CCCCAAATCTGATGGGATTGCCTTTCGTACTCTGAAACGCGTGTGCAAGGATCTTCAAAAAGAAGAAACACGA  
GCGTGTGGAGCTTTGTATGATTTTTTCAGTCGTAAGGGATGAAAACCTTTGTGCATCCTGATCTGATGCACC  
ATCCGCTGTCACCTCATTAGA

>trans\_c\_5769 AY104136|Zea mays PCO095184 mRNA sequence

TCTTTAGGGTTTTCGTTGTCAATCTCCGCAGCTCTTATCTCTCAGCGATGGCGAAGAACAGGAATAAGAAGAA  
GCGAGGTGGGGCTGTTTCTATGGACGTAACGGAAAATTCCGTTACAGAGCTCCCTCAAGCGATGGACGTGTCT  
GCGTCTACAGTTCATAAACCAGCTTCTGGCGCTCTCGATTTAAAGTTGAAGAAGGGAAGGCCAATGAAGCGAT  
CAAAGAATGTTAGGAAAACAAAAGCCATCGCAAAGGCCATTTCTAAGAGCGAGCAATCAATGGAGAAAATTT  
TAAAAAATCAAAGCAAACTACCAGAATACAATCTGCAAAAACATTGTATGAATGATAGAATCACTTTATAGA  
AAATTTCCGTGAAAATTGTAAATTTATTTATTTTTGTTCTCCTCGTAAGTTTTTATTATACTTTCCCCACTCACC  
ATTTAGTTTTTAATTGTATCAATCTAATCTGGCATTATTTATTTTAGAGAGTGGATTGTCTATTTTTATGTCAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5770 Novel Gene

AGGTTGTTTCATCTCAGGAACCGGCAGCGGTATCACTACCAAAGACAACAATGCCTACATTCTCATTCTCAAGAT  
TTAAGGCTATTCCTTTGACACCGCTGGAAAATTCACCATTTCCTCAGCTTGAATCTCCTTCAATCCATAAACTC  
GGGCAATTCCATCTCCTACAGATAGGACTCGACCCATCTCATCCACTTTCAAAGACGTTTTGAAGTTCGTAATT  
CTACCTTCTAAGAAAGTTGTTAGTTCTGCTGCTCCAGGAGAGAATTCCATGAAAGAAAAGGGGCGTCCAGTGA  
GAAATGCCACAGGCTCATAGATCTGAGCCATATAAAAACAAGAGAAGCCACTGCTTCTTCATCAACCTCCGGC  
CTATCCTTCTAAACCTGGCCTAAGGGCCGCTAGTCATGCTCTTCGCACTAGCCGAGTTGATCACACACACAGGC  
AGTGCCTTCCTTCTTCTATCTTAGACTGGACGGTAATCTTCTATCTTAGACTGGACGGTAAGCGGGCAAATGGT  
GCTATTCCTCCCCCTCTAGAG

>trans\_c\_5771 XM\_002893236|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UbiE/COQ5 methyltransferase  
family protein, mRNA

TTTLAGTTAAATGACTTCCTCAGCTTGGGCCAGCATCGTATTTGAAACGGATGGCCGTCTCCTGGAGCTGTGC  
GAAGCCAGGAGACTGCGTCTTGATATATGTTGTGGAAGCGGCGATTTGGCCTTCCTTTATCTCAGAAAGTT  
GGATCCACCGGCAAGGTGACGGGTCTTGATTTCTCATGGGAGCAGCTAAGTATTGCTTCTTCTCGCCAACGTT  
CCCTCTCAAACCTGCTATGAGAACATTGGGTGGGTGGAGGGTGATGCACTCAATTTGCCATTTCTGACTG  
CTCTTTTGATGCCATTACAATGGGCTATGGCTACGAAATGTGGTGGATAAACGGAAAGCACTAGAGGAAAT  
ATTTAGAGTACTCAAAGAAGGTAGTAAGGCATCAATTCTCGATTTTAACAAGACTACACAACCCACTGTTGCTG

CTATTCAGGAGTGGATGATCAACAACATTGTCGTCCCTGTGGCATCTAGTTATGGGCTTGCTGATGATTACAG  
ATATTTGTCCAAATCCATCCGTGAATTT

>trans\_c\_5772 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

GTCGATTTCCGTGTTTGATCTGCCCTCTCTAGAAGACGCCGTTTCGCACGTGAGGGGTTATTTCTTGGTTTCGTC  
CAGTCATTAATAACTTGATTATTTATAGATAATAGTAGATAGAAACAACGCTCGTAAGTAGTCCTATTGAAACC  
AAGAAATATAGGCCTGCCTGCCATCCACACCAGAATAAAATAAGTTTTCCGAAAAAACCTGCTAGTGGAGGAA  
GACCTCCTAAGGATAAGAGACATAGGGCTAAAGAGAGAGCCAAAAGAGGATCTTTTATGTATAATCCTGCAT  
AATCTCGAATGTTATCAGTTCGGTACGTAGACCAAATGATACAATGCAAGCAAAAGTTCTAGATTTCATGGC  
GATATAGAAGAGCATATAAGTTATCATGCTTGCATATCCACCATTTGAGTCTCCAACAATTATTCCAATAATTAC  
ATATCCGATTTGACCGATGGACGAATACGCAAGCATACGTTTCATGCTTGTGTTGAGTAATAGCAATGAGATTCC  
CCAATATCATGCTAAGAATAGCTAG

>trans\_c\_5773 Novel Gene

AGTTCAACCAAATAAGCCAATCTCGAGAGCAAATGGCATTAGGACTCCTACCTCAGCGGAAAAGCTCCCTAAA  
ACTGACAACAACAACGGATGGCAGGGAAGACGTAGCAGCATTACGAGCTGAGTCAGAAATACGGAATGCAA  
CTCAATCAATCGACAACATCGATGATGATATGGAAGATATTAAGGAGATAATACGTGAGTGATGACTGAGAC  
GAAGCAAATAGATGATCCTTGTCTTAATAAGGCCATGGATGATGCTGCCATGTTTGGATTTGTGTTGTA  
ATTTAATATTGTTTCATTTTCTTACCCCTTTTCTATTGGAGTTGTAAAAGGTAAAGTTTCTTCATTTTTTTCTCTGA  
GAGTTATAAAAGGCATTGTTTCCTTATTGAGTTTGTATAATGTTATACAGTGTAATAATTGTAAGTTCTGTTTCAT  
AAATTATGTTTGTAAATTCAAGCAAAATAATCACTTTTGAAGTGCATTCTTCCCTTCTGTTTTCTCCGCATAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5774 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GTGTTGTGTCGCGCACTGGATAAAAAAAAAACGGTAGGTACAGCTAGTCCGTGAACAGTTAACCATCGCACTGT  
AAAAATAGGATAAGTTTTATCGATAGTCATTTGGTCTCCTAAAAAGATCTACTAAATTCATCGAGTTGTTCCA  
AAGAATCAAAACGGCCAGTTATTAATGGAATTCCTGTGCGCTCTCTGTAAATACTCATTTGGACGAGGGCTT  
CCAAAGGTATCGTAAGCTAAACCCGTGCTGACGAATAACCAACCTGCAATGAATAGAGAAGGTATAGTAATG  
CTATGAATGACCCAGTATCGAATACTGGTGATAATATCAGCAAAAGAACGTTCTCCTGTGCTTCCAGACATGCC  
GAGCTCCACATATTCTTGTACAGTCAAAAGGGGGATCGATTCCGTAAAAGATGAGATCAGTAAATGGAAATTA  
ACTGAAATTTTATCTTTGTAAGATCGTCAATATTGTACCGAGGGTGTTTTTAGAGTATACCGAATCAGTATAGC  
TATCCTTCTTCTGATATGATGGTATG

>trans\_c\_5775 AB252217|Arabidopsis thaliana PDV2 gene for plastid division protein PDV2,  
complete cds

AAATGATGCCAAAAGAGAGTCAAGCGAGTCACTAAGTACCAGCAAAGAAGCGAGCACGAAAAACACAAGGA  
ATGGATTAGGTTCACTCATAGCTGCAGCAGCCAAGGCAGTGTTTACCATTGTTGGTGTCGTGTCTATATTGAG  
CATGTCTGGTTATGGGCCACGTATTGTAGCAAGGAAAGCTTCTCGTTTGAAGAAATCCAGTGCATACAAACAA  
CGATCGACTGAAGAAGAGAGACCGAGAAGTCAATGCCCCGCCAGGAAAAATCTTGGTCGTTGAAGACGGGGA  
GGTTCGGTGTTTGGTGAAAGAGAGAGTCAAGTTCATTTTCTTCTGCTGTGGCAAAACCTGATGTAACTAT  
GGATGTGGTTAATTCTTCGTCATCTTTTTCTTCCATATTAACGTAATTCATCTCTAGAGAAGCTCGATTCT  
TCAGTGTGTAAAGCTAAACACATTTGTCCGCTAAAAATACATATAATATGAAAATATATTAGTTTTTGCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5776 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GATTGGTAGAATCCTTTGCAGATTTTGGTTGGTTAATCCGATCAGTTCATAGATGGTCGGCAAGTATGATGGT  
CTTAATGATGATCCTGCACGTATTTGCGGTGTATCTTACTGGTGGATTAAAAAACCTCGTGAATTGACTTGGG  
TTACAGGTGTGGTTCTGGCTGTATTGACCGCATCCTTTGGTGTAACTGGTTATTCCTACCTTGGGACCAAATT  
GGTTATTGGGCAGTCAAAATTGTAACAGGTGTACCGGAAGCTATTCCAGTAATAGGGTCGCCTTTGGTAGAGT  
TATTACGCGGAAGTGCTAGTGTGGGACAATCTACCTTGACTCGTTTTTATAGTTTACACACTTTTGTATTACCTC  
TTCTTACTGCCGTATTTATGTTAATGCACTTCCTAATGATACGTAAGCAAGGCATTTCTGGTCCTTTATAGAGAA  
TAGAAATCATAGATTTGTAATTAGTTATTTATGATTACTCAGGGGGGAAGAAGAGTATTCATTGCTGCATCAT  
ACCATTGGTGGAACATTTCT

>trans\_c\_5777 NM\_001060940|Oryza sativa Japonica Group Os05g0104800 (Os05g0104800)  
mRNA, complete cds

ATTTGATATTCTGAAGACAACCTTCTGTTGATAAACTGCCAAATGATTGGAAGGAATGGAAGCTTCAATGGAG  
AGATTGCTTGCCTTAATTGACGACATTTACAAATATGTTGATAACGTTGTGGAAGGGCACGTTGAGGCTGACA  
ACACGATAGGGAGATTTCTAGCTGACACTGTAGCATCTCTTCCAAACTGTCGCCAGCTGCTTTTGATAAGCTG  
ATGAACGACAACGTGCAGGACCATTTGCTGTTGCTGTATTTGTCGAGTATAACCCGGACACAGTTGAGCTTGG  
CTGAAAAGTTGAATACCGCAGCTCAGATCCTGTAACCTCAACGAGCATAGTCGAAATTTTCGTGTTATTTATTT  
GGTGATTGACCAAAATCTAAGAATATTTGGTTACTTTGATTGAGCTTACTGTCAAGAGATTCTTGTTATACTGC  
CTGCTTTTGTGGAATATGTTGTCTAGTTTTTACTTTACTACCATTATTAACATCAACAATTTTCCCCCAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5778 Novel Gene

ACTTGATTTTGTCTATTTAGCCATTTGTGCTACAATTAGTGTCTATTTGGAGCTGTGGTCGTGCACGGTGGGA  
ATGGATATGGGGTTATAGTGAGGATTGTTGTTGGTGGCTTCTTGTTGGCGTTTTGGTGATTGTGAATTTGGT  
GGGATTGCTTGTTCAGAGTGTGTTTTACTATGTTTGCAAGAGCTTCCATCATCAAGGAATTGATAAGCTGGCTT  
TACATGATCATTTGGGTGGATATCTTGGTGAGTATGTACCTCTCAAAGTAGTATTGAGATGGATAGTTTAGAT  
GCATGAGGTAGAGAAAAGAGCAATTTGTTATCTAATGTTGTTGTAAAAAGATAGTATTTAATCCTTTTCTCAAG  
TGAATTTGTGGAAGCTTTGTTCTCATTTTTTATACCTACTACCACTTGCAATTGATCCTTAATAATTTCTAAGGATC  
AGTCAAGTCCTTGTCTTTGAATTGCTGGTGGGATTATACTGTACTGTGCCATGGATTATTTATATGTTGATGGG  
AAAGTTCTGATATTGTTTT

>trans\_c\_5779 Novel Gene

TAGTGAGAACATTAATTTGTGCAAGAAATTAAGGCCAAGTTCTAGGCTATGGAGAAGAGCAAATCATTCCCC  
AAGTACTCATCCTCAACCTCAGGTGAGTTCGGTTTCCAAACTCGATCAAACCTTTACAATTTCAACGGCCCCGAC  
TGGAAGCAACCGGGTTCTCAACCTCGGCCGATCCCGAGCTCAAAGGAAGAGAAGGATTGCATCTTATAA  
TGTTTTCAACATGGAAAACAAAGTTAAGTCTAGTGTAAGAAGAGCTTCAAGTGGATCAAACTAAGTTTAGT  
GACATTCGCTATGGTTTGTGAGTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTGTTTTGATCATTTGTGTAAACAAG  
TTTGGCATTTTGATCTGTCTTTGAAGACTTGGAACCAAATTCAAGATATAATTAAAGAGTTTGAAGGTGTGTGT  
GTTTGGCTGTGGCTTTGTTTTGTTCTCCATGCAATATATAAGCCTTTTTCTCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5780 XM\_002894487|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-protein ligase 1 (UPL1),  
mRNA



AAGGTTTCAGATTCACAAGGTATATGGAGCTCCTGATAGGCTGCCATCAGCCCATACATGCTTTAATCAACTAG  
ATCTCCCCGAGTACTCATCGAAGGAGCAGCTTCAAGAACGCTTGCTTCTTGCCATTCATGAAGCCAGTGAAGG  
ATTTGGCTTTGGCTAAGCCTCCTTCCAATTTGCGTTTCGAGAAAAATGCACATCTGAAATTGCCATGTACATAT  
GAAGGCCAAATGCTGCGGATCAAAATATGACATTGGAGGCAGGGGCGTTGAGAAAACCTTTGCAAGGAGCCGG  
TCCTGGAAAAATAAATGAAGCTTGCTTGATCTTTAACGGAGCAGCCAATTACCGTGATTTTTATTGAGGTACCAA  
TGTGCTTCTCCTCCAAAGTGTGTGACCAATTGGTTTGAGAAAGTGATTCTTTTGGTTGGAATCCTCACCATTCA  
AATGAGTTTCGATTGGGGTAGAATAATACACAGGGTTGATAACAGAAATGACCCAAATTCCTTATCTTGTCTAT  
AATGAGTTTCTCTTCTTTCTTT

>trans\_c\_5781 NM\_203099|Arabidopsis thaliana AGP41 (ARABINO GALACTAN-PROTEIN 41)  
(AGP41) mRNA, complete cds

CCTCATT CATAACCTTCGCATTTCTTCTTCTTGTCTCTCTCTAGGGTTCTTCTGAGAGAGACAGAGAT  
GGCTGTTTTGAGGGCTTCTTGTGTTTGGAATCTATGCTGCTGTGCTTATTGCTGTCTTTATGTCCTTGCTCTGCCT  
GTATCTTCAGCTGAACCTTTCTTCTTCTCCAGCTCCAGCTCCAAGTAGCGATGGAACCACAATAGACCAAGGAAT  
AGCACATGTTCTAATGCTGGTGGCTTTAGTGCTAACGTACATCATCCATTGAAAAACAGAAGAACAATTACCT  
ATGAGTTTTCTTTATTTTCAAGTCTATGAGATGAAAGGAAAGAGGGTGTGGTTGTCTTATTCTATATATTTGCCA  
TATTTTTTTTTTGAAGCTTGCAAAGGTTTCATTTGTAGAAAGTGATCTGTTGTATTGTATTATAATTTATTTAT  
ATATTTTTCTTCTTTTCTTCAATGATTATTGTTTCTTTGTGTATTCTTATTGTCCTAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAA

>trans\_c\_5782 NM\_001066956|Oryza sativa Japonica Group Os07g0640200 (Os07g0640200)  
mRNA, complete cds

ACCTCTGAAGGAGAATCAAATTCCTCCACCTCATTTTCGGTCACTCCCTCCATAGTGTTACCCTTGAAATTTTCA  
AGGCTATATCGATGAACACCGACTGGAAGGGGTGGAAGAATTCATGTTTCCTTATAGTAAATCCAAGCTTTC  
CACCATTTAGAGGAGGCGTTTGCTGCAGAAATTTATTGAATGTATCCCAAGACTTCTCTGCATAGCGGTTGCG  
AATATCTTCGCGTGTTAATGATCCGTTCTTGTAACCAGCATTACCATGTAGCTCTCCGGGTCTACTGGGTTTG  
GAAAAACATGTCCCTTAACCTGGGTTGTGGATCGCTAGTAATCCCAATACAGTGCTACTTGTGCCAAGACT  
AATTGCAAGATCCCCAGGAGTATTAAGAGTTAGACCTACAAGGCTGTTGGGATTGTCTCTGACCACTGAACA  
ACCAAGCAATTCTGATTAAAGTTATATCTCTTAAAAAATATGGAGCAATGTAACCAGCAACTCCATATGCAGG  
GGCTAGCTTCCCGAGTTTCTCT

>trans\_c\_5783 AY968438|Lagenaria breviflora ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds;  
plastid

TACCGAAATGGGTTTCCTTACAAGAAAGAATTACTTCTACCAAGGAAGGGTCCATAAATTCTATTCAAGCTGTTT  
ATGTACCTGCGGACGATTTGACCGATCCTGCTCCTGCCACCACATTTGCACATTTGGATGCTACTACCGTACTA  
TCAAGAGGATTAGCTGCCTTGAATATCTATCCAGCAGTAGATCCTTTAGATTCAACCTCAACTATGCTACAACC  
GAGAATCGTTGGTGAAGAACATTATGAACTGCGCAAAGAGTTAAACAAACCTTACAACGTTACAAAGAACT  
GCAGGACATTATAGCTATCCTTGGGTTGGACGAATTATCCGAAGAGGATCGCTTAACCGTAGCACGAGCATA  
GGTAATTGAGCGTTTCTTATCACAACCTTTTTTCGTAGCAGAAGTATTTACCGATTCCCAGAATCCTTTGCAGAC  
GACTTAAATACGCGACACCCATCTTGCAGTGCAGTAGTCCGCAGTAGCCCTGGCAAAGATGTTCTCTCCCGAG  
CATTACAGGATCCCCATTTAC

>trans\_c\_5784 HM068864|Carica papaya L-allo-threonine aldolase mRNA, complete cds

TGATGATGATGTATTGAAATATGACCCAAGTCCCTTCGATTGGAAACAGAAATGGCAAAGATTATGGGGAA  
GGAGGCGGCTCTTTTTGTGCCTCCGGGACTATGGGCAACCTCATTAGCGTCTTGTCCATTGTGAGATTAGG  
GGGTCTGAGGTTATTCTTGGGGATAATTCTCATATTCATTTATGAAAATGGAGGTATTGCAACTATTGGAG  
GGGTTCATCCTAGGACTGTTAGGAATAATGGAGATGGAACCATGGACTTGGATTGATTGAAGCTGCCATTAG  
AGACCAAGAGGAGAGATTGTGTTTCCAAGTACCAGGCTTATCTGCTTGGAAAAGTTCGCATGCCAACTGTGGA  
GGTAGATGCCTCTCCGTGGAATATACAGACAGGGTGGAGACTTAGCTAAGAAGCATGGTTTAAAGCTTCAC  
ATTGATGGTGCTCGTATTTTCAATGCCTCAGTTGTATGTAGATTGACTAAACACCTTGATAGTAATAATTACAAT  
GACTTGATGCCTTCTGGTATCTGGC

>trans\_c\_5785 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

GTAAGGTAAAGGGTTAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCTCGTGTTTAGTTGCCAACCGTTGAGTGGTTCCAAA  
GTCTACTCAGTAATTGTGCCTAATTCTTCCTTGTCTTATGACGTCAAGTCATCATGCCCTTATGCCCTGGGCG  
ACACACGTGCTACAATGGCCGGGACAAAGGGTCGTGATCCCGCGAGGGTGAGCTAACTCCAAAAACCCGTCC  
TCAGTTCGGATCACGAGCTGCAACTGCCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGG  
CGGTGAATTCGTTCCCGGGCCTTGTACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTTA  
CCTTAACCGCAAGGAGGGGGATGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAGTCGTAACAAGGTAGCCGT  
ACTGCTTCACATAATCAAGCTGCCTCCTTTTCAGGGAGAGCTAATGCTTGTTGGGTATTTTGGTTTGACACTGC  
TTCACACCCACAAAGTTTATCTACG

>trans\_c\_5786 EU002409|Euonymus americanus photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein  
(psbB), photosystem II protein T (psbT), photosystem II protein N (psbN), and photosystem II  
phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

TACTCAAATCTGGGTCAATACCAGCAAAGACATCTCTGAACAAGGTTCTCGCACCATGCCAAATGTGTCCGAA  
GAAGAAGAGCAAAGCAAAGGAAGCATGCCCAAAAGTAAACCAACCCCTTGGACTGCTACGAAAAACCCATC  
GGATTTCAAAGTAGCACGATCTAATTCAAAAATTCACCCAATTGAGCACGTCTAGCATATTGTTTCACAGTAG  
CAGGATCACTATAACTGACTCCATTGAGTTCACCGCCATAGAAGTCAACAGTTACACCGACCTGTTCAACACTA  
TACTTCGATTCTGCTCTTCGAAAAGGAACATCGGCTCTAACAATTCGCTCTCCGTCTACCAAAACAACCGGAAA  
TGTTTCAAAAAGGTCGGCATAACGGCGTACAAAAAGTTCGCGCCCTTCTTTATCTCTAAAAACAGGGTGTCTTA  
ACCAACCAACAGCTATTCCATCCCCGTTGTCCATGGAACCCGCTCTGAATAATCCACCTTTTGCGGGATTATCCC  
CGTGTTGCGTCCTTGAAC

>trans\_c\_5787 GQ997694|Nerium oleander voucher FLAS:W.S. Judd 8076 ribosomal protein S12  
(rps12) gene, complete cds; chloroplast

TCGAGAGGGAAACAGCCCGGAATAATCATCCGGTTAGGATTGATCTAAACCAACTCATTATGTATACAATTCA  
ACATGCCAACTATTAAACAAGTATTAGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAAATCGCCCGCCCTT  
CGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGAACATGTACTAGGGTGTATACTATACCCCCAAAAACCAAAGTCTGCCT  
TACGTAAAGTTGCCAGAGTACGCTTAACCTCGGGATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAAT  
TTACAAGAACATTCTGTAGTCTTAGTAAGAGGGGGGAAGGGTTAAGGATTTACCCGGTGTGAGATATCACATTG  
TTCGAGGAACCTAGATGCTGTGCGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAGTGCCTTGTAGATTCTTAT  
CCAAGACTTGATCATTTGATGATGCCATGTGAATCGCTAGAAACATGTGAAGTGTATGGCTAACCAATAAC  
AGGGACCCTACGGAAAGGTATT

>trans\_c\_5788 XM\_002869949|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata expressed protein, mRNA

TCTCTTCTTCGCCATTTTTACGGAGCACACCACAATCTCTCTTCTTCTCTACAGCTCTTGGAACCTGAAGAAA  
AATGGGAGGTGGGAAGGAAAATGAAGATAAAGACAAAGGGCTTTTCTCAAATATGGCGGCGTTTGCTGCAG  
GACACCACTATCCTCATCATCATGGATATCCACCACCACCGTACGGTGGAGCTGGATATCCCCCTCCGGGTGG  
GTATCCGCCGGCTGGCTATCCCCGGCAGGCTATCCTCCTTACGGTGGACATCCTCATACAGCCTATCCTTATC  
AGGGTGGATACCCCCCTGCTGGCTATCCTGGCCCCATCATTACCCTGGCTATGGACACGGACATGGACACGG  
TGTGGGTGGATTGTTGGCTGGTGGAGCAGCTGCTGCTGCAGCTGCTTATGGCGCTCACCATCTTGCTCATGCA  
CGTCCATTTGGGTTCGGCCACGGAAAGTTCAAACATGGAAAATTTGGTAAGCGTTGGAAGCATGGAGGCAAG  
TTCGGGAGATTCAAGAAATGGAA

>trans\_c\_5789 FJ032298|Baccaurea ramiflora genomic sequence

TCTACTTCCTCAGAATCCATTTCTACTTTTTCTGCAACTTCTGTTACAAATGTACATGGGCACCTGGTTCCTCTT  
TTTCTTCACTGTAAACGATATTGCTTGATGATTCTGCTTGTACTTTTGGAAAGTTCACAGCCTCTGATGGTTGTT  
CTTCTACTTTTTGTGGGGTTGCCTCTGCTGGTACCTCCAAAGTCTCTCTTTCTATGACTTCTTTAGTTGGTTGCTC  
TTCTGGTGGGCTCTTGCCATTGTCAGTTGTATCAAACCTCTTTATACTTTTTTCCAAGTACGCAATTACTGGCAG  
TTCTATTGCTTCTCCTCCAACCTGGTTCACCGATGGCCTTCCCTCATGTAGAGTCTCATTGGTGGCAGTAGCAAT  
TTCCACCTCTGAAACCGAAGTAGATTCTTTTTCCAACCTGCACATTGTCATGAACTGGAAGATTAACAACAGGAG  
TTTCATCTATTTGTTGATCTCAATTGCAGGAGGCTCAGCTTGAATATCCACTGCCTTTTCTTTGGATGTCGACA  
AAGTACTAT

>trans\_c\_5790 NM\_001073829|Oryza sativa Japonica Group Os12g0620600 (Os12g0620600)  
mRNA, complete cds

TGACAACAACACTACAATCTGCAAAATGCCCCGAGACTAGCCAGTCAGCTGGCGAAAAGACTTCCAACGATCAA  
TCAACTGTTGCAGCAATAGTTGAGGCCAAGGACCAACAAGTCAGCGGAAAGGAAGAGAGTTCAACACTAGCA  
TACACCACCTCACAACCTGAAGAACCAATGAAGGAAAAAGACCAAGTCCTGTGTCGTGGGAAAGAATCCTGC  
AAAGAATACATCAAGAGCTTCTTGGCTGCTATCCCAATTCGGGAACCTACAAGCTGATATCAAGAAGGGTCTAA  
TGGCATCAACCCCGCTTACCACCGCCTACAGATCGAATTACACTACACCCAGATTTTGCAACCTTCACCTGATT  
CTCAGCTACCAGAAGATCCAAAACCCACACCGCAAAGTCCTGACACCACATTAGCAGACGTTGCAGCTACAAC  
TACGTAGGTTTAATGTAAATTGTACGAAGCTTGGTTAATCTAACTAGTTCTTTTTTTCTTTCAAGTGACTGAGAG  
CTTAGCAAAGAGGAGTTTAT

>trans\_c\_5791 DQ377806|Acacia mangium x Acacia auriculiformis phenylalanine ammonia lyase  
(PAL) mRNA, complete cds

ATGCACTTAAAAGTGGCGATAACGAAACAAACACAAACACCTCAATCTTCCAAAAGATTGGTGCTTTTGAGGA  
GGAGTTGAAGGCAATTTTACCAAAGGACGTAGAAAAAGTAAGGTTGGCATATGAGAATGGAAATTCTAAAAT  
TGAAAAATCAAATCAAGAATTGCAGATCATACCCACTATACAAATTTGTGCGGGAAGAGTTGGGAACAAAATTG  
CTAACCGGAGAAAGGGTAATTTCTCCCGGAGAAGAGTGCGAGAAGGTATTCACTGCTTTAAGTCAAGGAAAG  
ATGATCGACTCTATCTTCGAATGCTTGAAGGAATGGAATGGAGCACCCATCCCTATTGTTAATCCAATTGGAC  
AATACGCACTTAAAATTGTTGAAAAATATTATAGCCTTGTATTGCAATCTCTCTTTATTTTCTTAATTATTTTC  
AATAATAATTGATACATTTAATTCTTCTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATGAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5792 XM\_002872755|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

ACGAGTGTAGTAATCAACATATTACAGGGTGTTATTGAACTAAAATGTATGGTATTCCCAGCTGGGCCATCATT  
GGTGACATGGGTTATGCTTTGAGTAGGCTAGAAATTGGTTCTGACTGTGATGGCGACATGAGTACCAGTGCA

TCGGGTGAAGGTCAAGTGTGAATAAACCTTTGAATAATTTAGATGATGAAATTGCTCAGCTCACTAGAATGA  
AATCAGGACCAAGTGCACATTTAAGTCAAGTACTGCCTGGGAAGCCGGAGGTATATATTTACCTGTAAAAAT  
GTTGGCAGGTGGGAGTGTAACTACTCAGGAAAGGGGAGGTTCTCAGCTGGAGATTGCTGTCACGTTTTAAG  
CAGATATTTGCCTGTTAATGGTCCATGGCTTGTGGATCAAATGACTAGCCGAGCATATGTCTCGCAGTTTTCAT  
CAGATGGTTCCTATTTGTCGAGGATTTCAGGGGAGTCACATTAGAATATATAATGTGGATAGTGGGTGGAA  
AAGTCAAAAGAACATTCTTGC

>trans\_c\_5793 AF361619|Arabidopsis thaliana At2g35260/T4C15.7 mRNA, complete cds

AGGAGTGAGAGATTGGATGAGGGGCAGACACGTAGCCGGTTCCTGCCCCGGCTATGGAGGTGACCACACT  
TGATACTAGTTTTAGAGAAACAGAGTTCCTGTTTGGGAAAAGATTGGTGCTGTTGTCAGACTCAGCTATGGA  
GTTGGGATTTATGGTGCAATGGCACTAGCTGGAAGGTTTATATGTTCAATATCTGGGACTGATTGGATGGGA  
GGTTTCCATCCATCTTTGGATGCTATTCTGGGAGGGCTTGGCTATGCTGTTCTCCAATTATGGCTCTTCTCTTC  
ATTCTTGATGATGAAGTTGTGAAGTTATCGCCCCATGCTCGAGCGATCAGAGATGTGGAAGACGAGGAGCTCC  
GAAGCTTCTTTACGGAATGTCTCCGTGGCAGTTCATTCTTATCGTGGCTGCTAGCTCAGTGGGGGAGGAGCT  
CTTTTACCGGGCAGCCGTTCAAGGAGCATTGGCTGATATATTCTTAAGGAGTCCTGATATTGGAGCTGACGTT  
CAAGGAATGGCATCTTTGACCG

>trans\_c\_5794 NM\_001057048|Oryza sativa Japonica Group Os03g0568900 (Os03g0568900)  
mRNA, complete cds

ATTGGCGATGGAGGGAACCGCGAAGGTTTAGCTCACAAGTACAACCTTGCAGCCTGAATGGTCAGTCTTTGGA  
GAAGCTAGTTTTGGTCACGGTGAACCTCAAGATGGTGAACCTGACTCATGCGTTTTGGAGTTGGCATAGAAATG  
ACGATGATGAACAGTAAAGTCTGATCAAGCATGGATAACCTCATTGGTGTCTCTGGCTGCGTTACTCAGAA  
GAATCATCAACTGAAGAAGTTCAGATGAAAACATTTGAATCTATTTAACATACTTCGTCCTTTCTGCTTTAGATT  
GATTTCTTTTGAAGATTTTCTCTGTTCCAATGTAAATAGCTGGTGTGAGCATAGATTTTCTCTGTATCAGTTT  
CCATTTTTCATATACATTTGATGCCATATATCAGTCAATGTAAGTAGCTGGTGTGAGCAATTCTCATTTTTGGGC  
TTGAACAATGACATTAATTTTAGTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5795 X69731|C.laevigatus chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase  
and promoter region

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTCGAAAATTATTGAAATCCAAAATAAATGTTTCGATGGAAAAGC  
AAGTTGATCGGTAAATCAATAAAAAATGAAATGGGAGTTCGCACTAGATTTTCGTTGGTACCGTCCAATGGAA  
TCAAATTCATTGTTAACTTATGCCATTTGAATGAGTCAAATTGCAAGTTCAACCAACCCATTTTCAAAATATCA  
AGTGGATGGATAAGAATCTTTCGAAAGTCTTTCATTTGCCTATCATTATATACATTACTTATCTATGTAATTCGA  
ACCCGAACCTCTATTTATGAGTTTTTCATTTTATTGTCCTTATTTATTATTTTTCAGCATATCGATTTAGGTCTAATCT  
ATTAGTTTTTCTACCTATACCTTTTCGTTTTTTTTTTTTCATAGGAATTCGGCATATTTTACATCTAGGATTTAC  
ATATACAACATATATCACTGTCAAGAGTGAATTTTTTTTATTTCATATTTACTCGTGGGGAGCCCTCGGGTGG  
GGG

>trans\_c\_5796 FJ708800|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

GAATTCTTCCTTGATACGACTTTGTCTCGAGAGGAAGCTTGTCTCGGTATTTAGATGTGGAAGACAGTAGCA  
GCCACGTTCTTGAATGGTCTAAGAGAGTTTCAATCATCAATGGCATTGCAAAAGGCATTGCATATTTACATCAT  
GAAGAAGCAAACAAACCAGCCATGGTTCACAAGAGCATATCTATCGAGAAGATTCTCATTGATCATCAATTCA

ATGCATTGATCTCGGACTCCGGCCTCTCCAACTTCTTGCGGACGACATTATCTTTTCATCTCTCAAGACCACTG  
CAGCCATGGGATATCTTGACCTGAATGCATTACGATCGGTCGTTTCACAGAGAAGAGCAACATATACGCATT  
TGGAGTCATCATATTCCAAATTCTTTCTGGGACGCGAGGACTTGCAAACCTCCTTCTCTTGGAACCGAAGTAT  
GCAAATTCGAAGATTCATCGACAAAAATCTGAAGGGAACTTCTCAGAATCCCAGGCTACAAAGCTAGCAAA  
TCTTGCACTATCATGT

>trans\_c\_5797 Novel Gene

TCCAGACTTATCAAGTACATGAAGGGAAAGGAAGCGAAAATTGCTGTCGTTGTTGGAACCGTGACAGATGAC  
ATTGCGGTTTACGAAGTCCCAGCATTGAAAGTTACAGCCTTGAGGTTCACTGAGACCGCAAGAGCCAGGATTG  
AGAAGGCAGGTGGTGAGTGTGACATTCGACCAGCTTGCTTGAGGGCTCCTCTTGCCAGAATACGGTTCT  
TCTTCTGGACCAAGAACTCTCGTGAGGCCGTGAAGCACTTCGGTCCTGCTCCTGGTGTGCCTCACAGCCACA  
CGAAACCATACGTGAGGTCGAAGGGAAGGAAGTTCGAGAGAGCCAGAGGAAAGAGAAACAGCAGGGGATA  
CCGAGTTTAATTTGTGAGACAAAAATTCACGTTTTGCTAGACTTGAAGAAATATTATTATGTGAGACTCTATCA  
TGTCTTAGTACAAGTTTTTCTTCTATAAAAACCAAATCGGATCCGGTGATAGATATTGTTTCAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5798 DQ112540|Glycine max GAMYB-binding protein (GBP) mRNA, complete cds

TCCCACTTTTGGGTCGTGTTTCTCACTTATTCAAATCGCTGGTCTTTGATTTTGGGCTTATTTCACTCTGCATCT  
GCTGCGACTTGAGGTTATAACATCTCTCTCGGTCTTGTTAGATAATTGAAGTTCATGGCAACTCTGAAAGA  
CCTTCTTCTGCTGTAAAGTCAACTACTGTAACCTCACTATGATCATTCAAATGATCCATGGTTCAAGCAGCGGTT  
TAGTTCCTCAGAAGCAGAGCAAATCTGTTATCAAGGTGAACCTGTGCCGCCTTACTGAAGCGTGGTGGTA  
TTTGTTCCAAGGAAAGTAGAGGATTTTGGAGATGGTGGTGCTTTCCAGAGATTACATTGCTCAATACCCACT  
TGACATGGGTAGAGACAAATCGTCGAAGCCTGGATCGAAGATCCTTCTATTACAGTCGACGCACATGGAAAT  
GTTGCATATGATGCTATTGTCAAGCAGAATGAGAATGCTAAAAAGATCGTCTATTACAACATAAAGACCTCA  
TTCCAAAGATT

>trans\_c\_5799 EU375352|Glycine max transcription factor (WRKY22) mRNA, complete cds

CATGGATCTACGAGTGAAAAATAAATCCCTGTGGTTCATCCATTCTGTGCGGCCCTTTGTTTTGTGTTTTACC  
TCTTTTAAATTGACAACCGACCACTTGGTTGAGACATTTCTATGTTTAATCAATAGCTGGCTATAAGCATGGCG  
TTATGGCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAACCAAACCCAAAAAAAAA  
AAAAAAAAACCACCAACCCCAAGCGGGGGGCCGAAACCAAATCCCCCTAAAGGGAGGGGAATAACCCCCC  
CCACTGCCCCCTTTTAAAACTTAATAACGGGAAAAACCCGGGCTTTACCAAATAAATCCCCTTGAAAAA  
CCCCCTTTCCCAATTGGAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCTATCCCCTTTCAAAAAATTGAAAAACCCAA  
AGGGCAAAGGGAACCCCC

>trans\_c\_5800 XM\_002312510|Populus trichocarpa sulfate/bicarbonate/oxalate exchanger and transporter sat-1, mRNA

AAGATAGATCCATTCTTGTCGGATCGCCTCGATGAACTTCACCTCGTTTAACTTTTTATCACTTCACTTCTGGG  
ATTGCAAAGCACAAGTTTGAGACCCTTTCTTCACTCTTCTTAACCTCTTCAAGCATGCTGATTCCACTTGAG  
TCAATGCTACTAACGCCGGACATGTCTAGAATTATGTACTGCAAGCTGGTTTCTCTGATGTTTTATCCTCTCT  
TCTTCGTCTGTAATCCACCTCGAAAGCCTTTCTCTTAGGTAGTTGAGTTGGCAAAGTAGATTGGGGCTCCAA  
TTGAAGGATGAGAATTCAGGCACACGGTTGGCTGTTGGGTATTGATCAACGCTTCTGTAAATTGTGGAGTTG  
GGAATGTTGCCTAGTACTGAAGTTCTTGGCCTCGCCATGATGAGAAGCACCTTAACAAAGAGAGTGTAATCG

CAACGATCAAGCCTGTTTCAACACTGCCAAAGACAACACCGATATATACACCAAGGCAGACGACAAAGTCAAA  
TTTGTGCGATTTT

>trans\_c\_5801 XM\_002308526|Populus trichocarpa precursor of carboxylase p-protein 1, glycine  
decarboxylase complex (gdcP1), mRNA

TGACGCCCTCATTTTCGATCAGAGAAGAAATTGCCAGATTGAGAAAGGAAAAGCTGATATCAACAACAATGTC  
CTAAAGGGTGCACCTCATCCACCATCTTTGCTAATGGGAGATGCATGGACAAAGCCATACTCTAGGGAATATG  
CAGCTTTTCCAGCTTCCTGGCTCAGGGCTTCCAAGTTCTGGCCAACGACAGGACGTGTTGACAATGTGTATGG  
TGATCGCAACCTGATTTGCACCCTACAGCCAGCGAACCAGGTTGTCGAGGAAGCAGCAGCAGCCACTGCTTA  
GTTTCCTATTCACTTCGCCTTCTGCAAACTCTCAATGATATTATCCTCTCTGTTTCACCCCTCTAGTTTCACT  
GTACATACGTTACCAATATTCATATTTGTCATTTTCACTTTCCTGATATGTTGAAAATTACAAGTTGCTGCAATAT  
AACACTTGTTGCTGATTGCAACGTCATTGTAGTAATTGTTGCCTTGGCTTCCTTTTCTCAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5802 XM\_002892400|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-D-apiose/UDP-D-xylose  
synthase 2 (AXS2), mRNA

CCAGGCTTGAGAGCCTCATCCGAATGGCAGATCTGACGATAAATCTTGCTGCGATCTGTACTCCGGCGGACTA  
CAATACGCGACCCCTTGATACTATCTACAGCAATTTATCGACGCAATTCCTGTGGTGAAATACTGTTCTGGCA  
ACAACAAACGTCTGATTCACCTTTCAACTTGCGAAGTATATGGTAAGACAATTGGAAGCTTCTTCCAAAAGAT  
AGCCCTCTTCGTCAGGATCCATCATATTATGTTTTGAGTGAGGATACTTCTCCTTGCATCTTTGGTCCCATTGAG  
AAGCAAAGATGGTCCTATGCTTGTCGAAACAATTGATCGAAAGGCTGATTTATGCTGAGGGTGCGGAAAAT  
GGATTGGATTTTACGATTGTAAGACCCTTTAACTGGATCGGACCAAGGATGGACTTCATTCCTGGCATTGATG  
GCCCAAGTGAGGGTGTTCCAAGAGTTCTAGCTTGCTTTAGCAATAATCTTCTACGCCGTGAGCCACTGAAGCTT  
GTGGATGGTGGTCA

>trans\_c\_5803 X71905|N.sylvestris mRNA

ATCCACAGAGGTTGAAAAGGTTAATGAAACAGCTGAAGCTCCGGTTCAGTGAAGACCAAAATCCCAAAGGA  
GACCATTGTTAGGAGGCCTGGCAGGCAAAGAGGGCTGGATTCCGTTCCGAAAGTGATTCCGAAGCGCAAGA  
AGTCAATCAATTACTTGGAATGGGCTGGTCTGCTGCTGCTGGTGCTGCGGTGTTACTTGTGATCCTTCTGGTT  
CTTGGATATTACTATTACTACCTTCTCTAAAAAACTGTGAACTAGGTGTTAGAAGAGGTTTTATGGATGAGA  
CAAAATTTTCTGCTGATGATGAGTGGGTGCTTTAGAGGAGGATAAGTTGTATTTTAAATTATGTTTATTTCTGT  
TTATTTTCATCCTTACTGTGGATGGACTCAACTCATAATGGTTGGCATTTTAGTCAGGTTACAGTGTTTTACTG  
TTGAAAAACATGCTTTTTGGTTCTTCAATGTGTTTCAAATTTTGACTTTGATGACCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5804 GQ998777|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 RNA  
polymerase beta' subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CGAAGAAGGACCCGCATGTAATGAATGGGAAGATCGAAAAGTTGGAAGAAGAAAGGATTTTTTGGTTAGAC  
GTATGGAATTAGCTAAGCATTTTATTCGAACAAATATAGAACCCGAATGGATGGTTTTATGTCTATTACCTGTT  
CTTCCTCCCGAGTTGAGACCGATCATTCAGATAGATGGGGGTAACTAATGAGCTCGGATATTAATGAACTCT  
ATAGAAGAGTTATATATCGGAACAATACTCTTATTGATCTATTAACAACCAGTAGATCTACGCCAGGAGAATTA  
GTAATGTGTCAGGAGAAATTGGTACAAGAAGCCGTGGATACACTTCTTGATAATGGAATCCGCGGACAACCA  
ATGAGGGATGGCCATAATAAGGTTTACAAGTCGTTTTCCGATGTAATTGAAGGCAAAGAGGGAAGATTTCCG

GAGACTCTGCTTGGCAAACGGGTCGATTATTCAGGACGTTCTGTGATGTGGTGCTTTAAGGACAGGGTGCCG  
TGCTACACTGGATTGCCTCG

>trans\_c\_5805 AY729667|Malus pumila ER-binding protein (bip) mRNA, complete cds

CAACGTTCTCAGCTTCCATTGATTGCATTTTCACAAGATTATCGCCATGGCTAGCTCCTGGAGAGCTCGAGGAT  
CTCTCATCGTTCTAGCAATTGTCTTCTTCGGAGGTTTATTTGCAATTTCCATTGCGAAAGAGGAAGCAACAAAA  
TTGGGGACTGTTATTGGGATAGATTGGGAACCACTTACTCTTGTGTTGGAGTCTACAAGAACGGTCATGTAG  
AAATTATAGCGAATGACCAAGGAAACCGTATCACCCCTTCTTGGGTCGCTTTCCTGATAGTGAGAGATTGAT  
CGGTGAGGCTGCGAAGAATCAAGCAGCTGTTAACCTGAAAGGACAATCTTCGATGTCAAGAGACTTATCGG  
TAGAAAGTTTGATGATAAAGAAGTTCAGAAAGACATGAAGCTTGTTCTTACAAGATTGTGAATAAGGATGG  
AAAGCCTTACATTCAAGTGAAGATCAAGGATGGGGAGACCAAGGTTTTTCAGCCCTGAGGAAATCAGTGCCAT  
GATTCTAACTAAGATGAA

>trans\_c\_5806 Novel Gene

AATTAGCCTCTCAAAATCTTCTCTTGGCGTATTTTTCTTGTTTCTTCTCCATAATATAATATGGCAGCTCGTCC  
CTCTGCCGTTCTGAGCGTCTGCTGGTGGGGCTGCTGCTTATTTCTGTTGTTAATGCACATGAGGGCCACGCAC  
ATCCTCCGTCCTCCGAGCACCATTGTTGCCCTCCACCCCAACACAACGCAGCCATCATGAACAGTCTTTCATACT  
TTTGGTCTATGGCAACGGCCATGGTGGCTGCATCTTCCACTATTTTTTTTAGTTTTATTAATTTAATCTTATTGT  
GTAAACTTCATTTCTTCATGAATTTATCTTTCAAATTTCTGTTTAATTATTAGTTATTGTGTCTATTTT  
CGCATTGTACTCTCCTTCGACCATGAAGTGTTTTTGTTTTTTATTTTTATTTTGTTCATGTCTTTTGGGTAAT  
TACAATGTCGACCTTAAATAACAATTATGAATATTCATTTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5807 AF043108|Pisum sativum spermidine synthase 1 (SPDSYN1) mRNA, complete cds

ATATCCAAGTGGAGTGATTGGGTTTATGCTCTGCTCAACCGAGGGACCTGATGTGCGATTTCAGCATCCAGTA  
AACCCAGTCGAGGTGAACGGCATTGACTCCGCAAAGAGTCCGCTCAAGTTTTACAACCTCAGAGATTCATGCAG  
CAGCTTTCTGTTTGCCATCTTTTGCGAAGAAGATTATTGATTCAAAATGAACGTGAAAGCATTCCCCACAACA  
GCATCGAAGAATGAAGAAGCAGAAATTTGCTGTGTTGGAGCACACCATCTTTTCATCTCAACCATGTATGTA  
ATAAGTCAGAGACTTGAATTAGAGTCAAAATGGTCGTTTTTTATTGTGATCAAGGTCATAAAGTTTCTTGAGAT  
TTTATTATTACTAGTAGAATTAGGTTTTGTTTTTCCCAACAATTTCCCCCATCTTTTTTTTTCTTTTTAAATTTG  
TAATGTGACCTCTGATGTTCTTCTAGGTTGAATAAATAGGCTAAATTAACATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_5808 XM\_002868995|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata serine carboxypeptidase S28 family  
protein, mRNA

ATTGGAACTTTTGGCTCTAGTGTTCAAGCTTACAATCAGAAAAATTTAAAAACACCACTCCAGGTGAAGATA  
GTGCGGACCGGTTGTGGTGGTTTCAAGTTTGTACTGAAGTTGCATATTTCCAGGTTGCACCAGCAAATGATAG  
CATGCGTTCATCTAAAGTGGATACAAAGTATCATTTGGATCTTTGTAAGAACGTTTTTGGAGAGGGCATTATC  
CGGATGTAGACACCACAAATATTTATTATGGAGGCACAGGAATTGCAGGTTCAAAAATAGTTTTTACAAATGG  
TTCACAAGATCCTTGGCGCCATGCATCCAAGCAAATATCATCTCTGAGATGCCATCGTACCTCATAACATGTC  
ACAATTGTGGCCATGGAAGTATTGCGAGGATGCCCTCAATCTCATCTAAACATTGAAGGTAATGCTCAAAA  
CTGTAGTTCTCCCGATGCAGTTCACAAAGTTAGGCAGCAGTTGGGGGAAAAGATGGATCTTTGGCTGTCAAAA  
TGTCATTCACCACT

>trans\_c\_5809 HM122451|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH10)  
mRNA, complete cds

AGAGAAACACAGAGATCGATTTTCACGCAAGAGAAGAGGATGCTGTTGTGAGGGTAAGTTGTCCATTGGACT  
CGCACCTGTTTTCTAAAGTAATCAAAACATTTAGGGAACATCAAATTGAAGCTCAAGAATCGAACGTCAAGGC  
TAGCACTGACAATGACAAGGTTATTCACCTCGTTCTTCATTAGAACTGAAGGTGGTGCTGCAGAACAATTGAAG  
GAGAAGCTGGTGGCTGCTTTATCAAAATAATATTATATGTAAAGTACCACTTCTATAAATATATAGAGCGAAG  
GCTTCAAGTGTTGATTTTAATGTGCTTCTATATAGCTAGTTTATGTACTTTGTTGTATTAATGTGGAAATTGC  
CTTTTAGTGAAGTTTGTAAGCCAAATTACATTCTCCCTGTTTGTATAATATCTAAATGTGCCATGTTCT  
GTATTGGATTGATAATTAATATAAGTTAAAAATATCAGTTATTAATTGAACTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5810 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

TGAAATCGAGCAGAGAGAGAGAGCCCTTGCCTCGATTGTTTGTCTCTTGCCTGAGCTTTCCTCAAGTTGGCTTC  
CGCTATTTTCGAGAGTTTGCTGAGCTTCTTGTTGGATCAATGTCACTAGCCTTCTCCGCATCATTTACTAAAATAGT  
GACCTCATTATTGCCTATTCTAGCAAAACCACCCATCAGAGCCATCGTTAACCATCCATCATTGAAGACGGAAC  
GTATGGGCACCCGCACTATATCTACAGCTGTGGCAATAGGTGCGTGATCTGGTAATACACCAATTTGGCCACT  
ATTGCTAACTAAAATGATTTCTTTCATTCTGAATCCCAAATAATTCGATTGGAGTCAGGACACTAAGATTTAA  
GGTCATTTCTTCAATTTGCTCTCCATTCTAAGTTCGTAGCCTTCGCAGTAGCTTCATCGATGTTACCTAGCAGA  
CAGGCCAAGCAGCTAGGAAGAAATGTAAAGAACGAGAGTTGTTGAACTAGCATATTGGAAGATCAATCGGC  
CAAAATAA

>trans\_c\_5811 AY346459|Solanum chacoense histone H4 mRNA, complete cds

ACCAAAATCAAATTTTGAGATCGATTCTTCCCAATTTTCAGTTGAAACAATGTCTGGACGAGGTAAGGGAG  
GTAAGGGATTGGGAAAAGGAGGAGCAAAGCGTCACAGGAAGGTTTTGAGAGATAACATTCAGGGCATTACC  
AAGCCTGCAATTCGTCGTTTGGCTCGTAGAGGTGGTGTGAAGCGTATCAGTGGATTGATCTACGAGGAAACC  
AGAGGGGTTTTGAAGATTTTCTTGAGAATGTGATTGCTGATGCTGTGACCTACACTGAGCACGCTAGGAGGA  
AGACGGTGACTGCCATGGATGTGGTTTATGCTTTGAAAAGACAGGGAAGGACCTTGTATGGTTTTGGAGGCT  
AGGTTGTAGGTTGATTTACGAATGATTGTATATCTGGGTTTTGGATTTAAGGTCATTGATGTTCTGTTCTG  
CTAGAAAACTTGGAAGTCATTTACTGTTATTGCAATGAAATTCTAGTTCGTCATGTAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5812 AF243182|Glycine max beta-ketoacyl-ACP synthetase I mRNA, complete cds;  
nuclear gene for proplastid product

TTGAGGCTTTACGTTTGCAACGGTGTCAAATCTATTGAAGGGTGCGGGTTAAATTGATTTATGGAAGGATGC  
AACCATCCTGTTTCAATTGCTTTCACAGTGGAATGGGTTCCAGATCACCAGCAGCGCCAAGGCAGTGGCCTA  
TCATAGATTTAGTCGCATTGATTTTATGTGTGATGTGTTCTTGAACCTCTTTTTGATGGCATTGATTTAGCTA  
GGTCACCGCAAGGGTGGAAGTTGCATGTGCATTTATGTAATTTACCTCCTCAGGGGAAACACCTGCATCTTC  
AAGACTGCTCAAGATGCATGAAGAGACACCAAGTCCATCTGCTCTAGGATCCGTCATGTGATAAGCATCACAG  
TTAACAGCCCCTCCAAGTATTCAGCAATAATTGGTGCACCTCGTTTCATGGCATGCTCCAACTCTCCATTACC  
AGTATGCCAGCACCTTCTCCCATGACAAAGCCATCACGGTCTTTGTCCCATGGCCTAGAAGCAGTCTTAGGATC  
ATCATTTCT

>trans\_c\_5813 AF485332|Panax ginseng GBR5 (GBR5) mRNA, complete cds



TTGGCCTTCTTCTCGCCTTCGTTCTTCTCCTCTCGTCTGAGGTGGCCGCAAGAGACCTTGC GGAGACCTTCTCCA  
AGACGGACAACGAGGCCACGGTGGAAACCAATGGTGTAGAGGATGCCAAGTATGGAGGAGGGTACGACAG  
AGGCTATGGCGGTGGTGGTTACGGTCGTGGTGGCTACGGTCGTGGTGGGTATGGTCGTGGTGGGTATGGTG  
GTCGTGGAGGCTATGGTGGTGGCCGTGGTGGGTATGGCAGAGGTTGCCGATATGGTCGATGCGGGTACAGG  
TGCTGCAGCTACGCTGGTGAAGTAGTAGAGGGTGCAAAACCTAAGACAAGGTGTAGAATGGGATGAAATA  
ATAATAAGGTTTAAAGTTTAATTTGTGTTTGGTTAAATGTGTGGGTCACAAGGGTTTGAGAAGAATAAATACA  
TGGGGAATGGGAGGAGTGGCTTCATCTGTAGTTTTCTTTTCCCATGTTTGGGTTTTAGTATGTTATTGCAA  
ACCGGGTAGGGTCACAACAG

>trans\_c\_5814 NM\_001066303|Oryza sativa Japonica Group Os07g0513000 (Os07g0513000)  
mRNA, complete cds

AGATCATTACAGGAATCGTTAGCTAGTGAGCTTGCTGCTAGAATGAGTGCCATGAGCAATGCAACTGATAATG  
CCAGCGAGTTGAAGAAGACATTGTCTATTGTTTACAACAGACAGCGGCAAGCCAAAATCACTGGCGAGATTTT  
GGAGATTGTTGCCGGTGCCAACGCTTTGACTTGAGTCAGTTTATGCTACTTTTAGGTACTTTCACTGAGAATTC  
AATAAAAAATAAACTATGCACATTTAAGAATTATAACATATTCAACAAATTCCTTAGACAAGTGCAATGAGACAA  
TGAGGCAAAGTGTCTTGAAAATAAGACAATTCTACTCGGTGTTCCACTTTTTAGTCTTTTTGGTGCTATGA  
TGTTAATAATTCTTGATTTGCACTTTCTGGTGCAGCTCCGCCTTCTTAAGCATTGTTGGAGTACACATATTTAT  
AATAATGGTATCTATTCGGCCTTTTGGCTTTTGGAGTACCAAAGTTTCGTCCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAA

>trans\_c\_5815 Novel Gene

TGCTGCAAACACAGCAGCTGGATATGCTGCATACCAAGCACCTCAAGATCCCACAGCATATAGTGGAGCCACG  
GCAGCCGCAGCAGCAGCTTATACTGCCCCGCCAGTGGGCAGCAAGGTTATACTCAACAGACCGCGACCCAG  
CCAACCTATGATCAGTCAATCCAACAATCAGGTGGGTATGGAACCGTGCCTTCAAGTGCTCCTGTAGGTTATG  
GGAAGAGTGTGTACACAGCCGCAGCCCGGTACCCGAGTATGATTCTACTCAAGTTTACGGGGCGAGTC  
GTTAAAAATTTTGATAATTAGGTTTAGGGTCTGTTGGTTGTGTAAGGAAGCAGATGTTAGTAGGGGTAGGGG  
TGTTATTATTGATGTTATTGGAATTATTGAATCATTCGGTAAACATTGTCTGTTGATTCTGCATTTGCCCAT  
CGAAGTTATTAAAGAGCCAATTCGGTTTATAGTAATATGAAATCGGCACCATCTCAGTTGATGACAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5816 AB264615|Cucumis sativus mRNA for histone H4, partial cds

GATCGAAATCAAATCAAACCTCACAACCGATATTGTTCCACATCGCTGTTCTAGTCTAACCCACAATCACCG  
GCGACAATGTCTGGGCGTGGTAAGGGCGGCAAGGGATTGGGAAAGGGAGGAGCAAAGCGTCACAGGAAGG  
TTTTAAGAGATAACATTACAGGGCATTACCAAGCCTGCCATTCGCCGTTTGGCTCGTAGAGGTGGTGTGAAACG  
TATCAGTGGAATCGATCTATGAAGAGACCAGAGGGGTTTTGAAGATTTTCCTTGAGAACGTGATTCGTGATGCT  
GTTACCTATACTGAGCATGCAAGGAGGAAGACGGTGACTGCTATGGATGTGGTTTATGCTTTGAAAAGGCAA  
GGAAGGACTTTGTATGGTTTTGGAGGTAAGGGTTAAGGGTTTTGATTGAAGAATGATTGTAGACCATTACCT  
TTGATCTTATATTTGTAGTCGAACTCGTTCCTATTGATTAATGTAAGTTAATCCCCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5817 Novel Gene

AAGTGTAGCTGAATTTGGATGCTTAGTTGATTATCGCCATGATTGACAATATTACGGCCAGTTTTTGTGGCTC  
ACCTTATAGGCTGAGGGTTGGTTAATCTAGTCTGGTTATATTTATCCAAACGAGTTGGTTTGCTGAATATGCCG  
CTCCTTTGGTTTCGGTTTCCAGTTAGCTTCTTGCTTCTTTGCTATACAAAATGTCCCAAGATTCTAATTTAAAGA

GCTCAAGCTTCCTTCCCCTGTTTCAGTAGAATGTGAGACAATAGTAGAGAAAAATGACTTTCATCACTTCTCTAC  
TATGTAAAATCTGATTCTCTAGTTTAAGTCTTCATTGCTTTCCTTCAGAGACTGATACAACTACTGGCCGTTTT  
TCGAGTTGTTTCGGTTGGCATGCTCGTCTGACTTGTGAGGCATTTGTGCATATTTTGGAATAAGCTTCAGTAT  
TGAATTCACAAACAAATATATTTATATATATACAATAAATTCCAGATTCTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAA

>trans\_c\_5818 NM\_126855|Arabidopsis thaliana CRCK3; ATP binding / kinase/ protein kinase/  
protein serine/threonine kinase (CRCK3) mRNA, complete cds

TGGAAGTGAAGAGGCCTCCAGAAGAGCGGGCCACCATAAGATGGGCTTCAACAAGTATAGTGAAGACAAA  
TTTCTGGAAACCTTAGATCCTTTAATGGAGGAAACGGTGGATGCAGACATTGTCATCAAAATGTTTGAATTGG  
CAATCCAATGCGCAGCACCAGTTCGAGCTGACCGTCCAGACATGAAGTTAGTTGGGGAGCAGCTATGGGCAA  
TAAGAGCAGATTATATATCACAGAAGAAGGATAAAGCAAGGTTGCCTTAAAGATGTGCGATTCCATTAACCTT  
ACCATATCAATTTGTTGTTTACCTCCAACAACACGAGTCTGTTCCACGCTTGTATTTTACATCTTCAACCTTGT  
AAATCACCTATTAATTCAATGTTGTTTTTCCCCTCAGTTTCCTTGTTCACATATTAGTTTTTTGTATATTTCAA  
ACCTATCAACATCCCCTTTCGACTATTGTATAAAAGGAACTTACATTCCCCATTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_5819 AB457581|Prunus persica GMP mRNA for GDP-D-mannose pyrophosphorylase,  
complete cds

CAAGAAGCACGCTTGCATATCGAGCAGTATCATAGGCTGGCACTCCACCGTCGGACAATGGGCACGTGTAGA  
GAACATGACAATACTAGGTGAAGACGTTTCATGTGGGTGATGAAATTTACAGTAATGGTGGAGTTGTCCTGCC  
GCACAAAGAAATAAAATCTAGCATTTTGAAGCCTGAAATAGTAATCTAAAGGTGTGATTTTGTCTGTTAGTTG  
AATCCCTTTTTGAGAGCAGCAGTGTCTTACTTAACGTTGTCGTTATTGAATTTTACTAGTTCTTTTCTTTTTTTT  
CCCTCTTCATGGGCGCAGCATAATGTCGGTGTCTGCTAGTTCAGGTTCTATGTTGAAGGGTCAATCTCCTTTAT  
CTAAGGACATTTCTTGTTCATGGTGTTCATACATTTACATTGTAATATTTTGTGTATATAGGAAAATAATTATCCA  
TTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_5820 AB034249|Croton sublyratus mRNA for geranylgeranyl pyrophosphate synthase,  
complete cds

ATTCTTGATGTTACAAAATCTTCGAATGAATTGGGTAAACTGCTGGGAAGGATTTGGTTGCTGATAAAGTTA  
CTTATCCTAAACTCGTGGGCATTGAAAAGTCAAGGGAATTTGCTCAAAAATTGAACAGAGATGCTCAAGAACA  
GCTCTCTGGGTTTGATCCTGATAAAGCTGCTCCATTGATTGCTTTAGCTAATTACATTGCTTATAGGCAAAATTG  
ATACTGTCTTTATGCTAGATTTGTACTGAAATTGAATCCTGGAGCATCTGAATTTGAGCTTGATACAAATAACTT  
CTTGAATTCCTGATTCTGGAGTTTGTGTTCTGTGCCATTCTTATGCTCTCTGTAGTTTTAGCTTTTTTTTTGGTT  
CAACTTCAACCCACCTTTTGTATCATTTAGTGTGTACTCACACTGATAAAAGCTCTTAAAGCTCTGTAATCTT  
GTACTGAAACAGTCCCTTTTATGTCAAGTATAAGTGATTATAGCAATTATAGACTTCAAACCTCTGTTACCCATT

>trans\_c\_5821 Novel Gene

CTTGGGATGTTGATGACAGATTTAGATCAATAGCGTACATGAGGCCATTGGCGATTTGGGCAATGCAGTGGG  
CAATGATGTCTGACTCTAAACCTACCAAATTTCCAACCAAGGCGTTTTCTGAAATGGAAGAATCTGCTTTTGCC  
ACTCAACATACTGCTTCTTAAAGTTGCATCTCTTGAAGTTGCCTTCCAACGATGGTGTGCTGCGCAGAGGAG  
CCTTGTGGAGGCTGCTTATGATTTCAATTTGCAAGAGATCAGCCTAATTCATCAAACCACTCTCCTATGTGATTTT  
TTTTTTCATGGAAATAAATTGCACCAAGCATTTTCTTATTGCTTGTGTGAAATATGTTTGATGTTTAGTATTT

GGCTAAATGTATCATATTGTATCTATTTTATTTTAACATTTCAATATATTCAGTTTTATCAATCTGACTTTTGCTG  
TCTAATCTTAATATTATCAGGATGTTTCCAACTTTTGGTTTGGTTTGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_5822 EU555286|Solanum lycopersicum protein kinase 1b (TPK1b) mRNA, complete cds

GGAAGGTGGGTTTGGGAGTGTGTTCAAGGGTTGGATCGATCCCCACTCCCTTGCAGCTACCAAGCCTGGTTCC  
GGCATCGCGATTGCTGTCAAAGACATAATCAAGATGGCTTCCAAGGCCACAATGAATGGCTGGCGGAAATC  
AATTATTTGGGGCAGTTGCATCATCCAAATTTGGTGAATTTGATTGGTTATTGCTTGGAGAATGAGGATCAGC  
TTCTTGCTTATGAATTTATGTGAAAGGAAGCTTGAATAATCATCTTTTGAAGAGGATCTGGGTCTCAACCAC  
TTTCATGGAAATTGCGTATGAAAATTGCACTGGATGCGGCTAAGGGATTGGCGTATTTACATAGCAAAATAGT  
TATCCATCGCGATTTCAAATCTTCCAACATCTTGCTTGGTGCGAACTACGATGCAAAAATATCAGACTTTGGAT  
TAGCTAATGACGGGGCCGGCGGAAATCAAAGCCATGTTTCTACAAGATGTATGGGTACTTATGGTTATGCAGC  
TCCTGAATAT

>trans\_c\_5823 HQ260777|Cyclea hypoglauca ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase  
large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

CCTTTGTAAAACCTGGAAGAATAATCCGTGTAGTACAGAATCATCTCCAAAAATCTCGGTTAGAGCAGGCAT  
ATGCCAAACGTGAATACCACCGGAAGCCACTGGCAGAACACCTGGTAAAGAAACCCAATCTTGAGTGAAATA  
AATACCGCGGCTTCGGTCTTTTTCAATAAAATCATCACGTAGTAAATCAACAAATCTAAAGTGATTTCTCTTTC  
CCCTTCAAGTTTACCAACTACGGTACCAGCGTGAATATGGTCTCCACCAGACATACGTAACGCTTTAGCTAGTA  
CACGGAAGTGCATACCATGATTCTTCTGTCTATCAATAACAGCATGCATTGCACGGTGAATGTGAAGAAGTAG  
ACCATTATCTCGGCAATAATGAGCCAAGCTAGTATTTGCAGTGAATCCACCTGTAAAGTAGTCATGCATTACGA  
TAGGAACTCCCAATTCTCGGGCAAATATAGCCCTTTTCATCATTCTTCGCATGTACCTGCAGTAGCATTCAAGT  
AATGTC

>trans\_c\_5824 XM\_002867595|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata arginosuccinate synthase family,  
mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTCGCTAGAGATTCGGAATCTTGCATTGAATTAAGACAGAAAGGAAGACACAGTAACA  
ACAAAACGAGCAGCCATAGTTGATTGCTGAAGGCAGGCAAATTTAAGCCTTGCTTTTTTAGATAGAAAAATAT  
CATAAAAACCTGAAGAAGGAAAAGGGTCTGGTGGGCACACTCTCAAACAAAGCATTATTATTTGACAGCGC  
ATTCCCTAGCAGTGAAATACCAAAAGATTCTTTTTCCAGTGCGGCGGGACAACTAAAAAACTGCAGCGTACAA  
ATTTTTCTCGAGTAAAACTATTCCCATGTCCCCAAACATTTTTATTCAAACCTCCACTAAATTTTCATTGCTTTCT  
TTAGATTCCTTGTTCAAGCATTGCTCGGACTCTAGTTGGGAGGCCATAGAGATGGATGAACCCAGCAGCATCC  
GCTTGGTTGTACACATCCCCGTTCTCGAATGAGGATATGTCTTGTCTATATAGGCTGTTTGGACTTTTTCGTCC  
GGTTA

>trans\_c\_5825 BT004613|Arabidopsis thaliana At5g60800 gene, complete cds

TACATAAGGGAGCAAGCATTGGATTCTCATCGCTAAACATTTGAGGCGAAAGCAAAGGTTGAGGCTGAGGC  
AAATGTTGTCCAACAAATCCACCATTCCTATACCCGTATCCGTATCCGTACCCGTATCCATAACCCGGAACCGG  
AACTGCCACGTAATCAAGCCGTTTCTTCCATTGCTCCGCCCTCTTGAGCTACCTCTCCTCCGGTCTTGTTCTT  
GTCACCGCCGTCTCCGCCCTTTGCTCCGTCTCTTTATCCTTCTTGGGTACCACCACTGCAACTTTCCGCTTCAGT  
TTCTCTTCCAAATCTCAATCAAAGCTTTCACATCCATTTTCCCTTTCACCATTAATAATCCTTTGTCTCTCAAT  
CGCCATGTCTTCACTCCTGAAACCAACAAAACAAAACCTATTAATTATCTTTTACATTTCGGACATTACTTAA  
ACGTGAAAAGTAAACTCACCTTTGTTCTGGATACAACCTTTGTAAATCTTCTCGATGCAACCCTGGCAGTG

>trans\_c\_5826 AB519173|Triticum aestivum TaAAPT2 mRNA for CEPT-type aminoalcoholphosphotransferase, complete cds

GCATGTTATTTTGAGAATTTCTTGTTCAAGCTTTTGGCTGATGAAATTTCTTCAATTCCTTTCTTACTTCGTT  
GACTCTATCGATTTCAAGACTTGAAAGAAATGGGCTATATCGGAGCACATGGCGTGGCGGCACTCCGAAGAT  
ACAAGTACAGCGGTGAGGATCACTCTTTGTGGCGAAATATGTCTTGCAACCCTTCTGGAGCCGTTTCGTGAA  
TGATTTTCTCTTTGGATGCCCCAAACATGATTACATTTGCTGGATTCATTTTTTGGTCACATCTGCGCTGCTT  
GGCTACGTGTGTTTCGCCTCATCTAGATTCAGCTCCACCAAGATGGGTTTCATGTTGCCCATGGGTTACTCCTATT  
CTTGATCAGACTTTTGATGCTGTTGATGGAAAACAAGCAAGAAGAAACAAATTCCTCGAGTCCATTGGGAGAA  
CTTTTGGACCATGGATGTGATGCACTTGCTGTGCGTTTGAATCCTTAGCTTTTGAAGCACTGCCATGTGTGG  
A

>trans\_c\_5827 AF534777|Cucumis anguria 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACCCCTCCGCGGCCAGCTTCTTAGAGGGACTATGGCCGCTTAGGCCAAGGAAGTTTGAGGCAATAACAGGTC  
TGTGATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGCACGCGCTACACTGATGTATTCAACGAGTCTATAGCCTTGGCCG  
ACAGGCCCCGGTAATCTTTGAAATTTATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGAGGA  
ATTCCTAGTAAGCGGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTGTACACACCGCCCGTCGCTCCT  
ACCGATTGAATGGTCCGGTGAAGTGTTGCGCTCGCGCCGACGTGGGCGGTTGCTGCCCGCGACGTGCGGAG  
AAGTCCACTGAACCTTATCATTTAGAGGAAGCTGAAGCACCAGTAACTGGTGAAGAGAAGAAAGAAAAGAAG  
AAGAAAAAGAAGAGGGTAGAAGAAGAGGATACAGTTATGGAGGAAGATTCAAACACAGCAGTTGAAAGTGT  
TGGGAAAGATGAG

>trans\_c\_5828 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGACTAGAAAGTTAAATTATCATTTTGCTGTTTCCATACAACAGAATCAC  
ACTACTATACATGCAGACAAAGGCATTACAAAGCTTACAACGATCAAATCATCTCATTGTTCTTAAATGGAC  
AAATAAGTAATGCTCCATCACTTTCTTTAAACATACAAGTTTACACAATCAAAATTTAGCTGCACGAGTCTCC  
ACTACAAAAAACAAAAGAAAGAAAAAATACTTCAGTGACTGTTGGATTGTCAAATGAACCTCCTCGAG  
AAGTTTCGAGTAGTCGCTCGGTAGGTACGGACGAGCAAGCCAACCTCCACACCCATCCTAAACAAACACCAA  
GCCCTATACCAACCAACTCTCACGCCTGCATTAAACCAGGAGAGTTTACCATCTTCATTGTCTAAATATTCTC  
TCCTTTTCCAATACATGTTGTAGTCGTTGTCGATTTCCTGTTGTATCTTACATATTCTGTGGCCTGTAAAT

>trans\_c\_5829 FJ231526|Melaleuca quinquenervia chlorophyll a apoprotein A1 (psaA) mRNA, partial cds

TCAAAAATGTAGAATCCATGTTGAATCACCATTTAGCGGGTCTCCTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGC  
CATCAAGTCCACGTATCTTTACCGATTAAACCAATTTCTAAATGCTGGAGTAGATCCTAAAGAGATTCCACTTCCT  
CATGAATTTATCTTGAATCGGGATCTTTTGGCGCAACTTTATCCTAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCCATTTTTC  
ACTTTGAATTGGTCAAAATATGCGGAATTTCTTACTTTTCGCGGAGGGTTAGATCCAGTAACCGGGGGTCTAT  
GGTTAACCGATATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCCTTTCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACC  
AACTGGGGCATTGGTCATGGTATAAAAGATATTTTAGAGGCTCAGCCCTGTCGTTTTACCTTAAAGGGCCATA  
AAGGACTATATGAGATCCTAACAACGTCATGGCATGCTCACGGCGAGCGGCCAAGCTAGCGTGGCGGCTCTT  
TAA

>trans\_c\_5830 Novel Gene

TATGTGGATTAAGGCTAAAGAACTCGATGCCAACACCGAGTACTATCTCGAGCTACTAGCTAAAGGAATTGGT  
AAGCCCAAGGAAGAGATTACTAAAGATATCCAACGATCCAAATACTTCCAAGCACAAGAAGCTATTGACTACG  
GCATTGCAGACAAGATTATCACCTCTCAAGATTCGCGCTTTGAAAAAAGGAATTACGACGAGATGCTTGCACA  
GTCAAAAGCTGCGAGGAGAGGAGCAGGAGGCAATCCACAAGCGGCGCCAACCTGGGTTTCAGATAATTAGAGA  
TAGTCTATAAGTGACAAATAGAAGTTCCATATCCCCACTATTAGCTAGCTACAACCTCAGATAAGCTTTATA  
ATTATTTATGTCCTCTCTTTTCGTGTTCTCGGGGTTCTGGTTTACTTCTGAAGCACTTGATAACCAAGCACCAC  
CAATATGATCTTTATAGGCCATTGTATAAAAGATTCTCTCATTAAGGCATTATGAATTAATGTGATGTTTTCTAA  
GCAA

>trans\_c\_5831 NM\_122911|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-  
containing protein (AT5G35200) mRNA, complete cds

ACCATATAGAGAAGCTTCACATTTTCGACTTTTCTTTGGTTCTCCACTAACCTCCGATCGCCTTCTCTTCTCTT  
TCTCCATTGATTTTCAGGTGAACCATATCAAATTGTTGAGTTTGTGTTGAGGTTTATTAATAGCGAGGGAGAGA  
GAATGTCTGGTGGGGGTACACAGAATAGCTTTAGAAAAGCATTGGGAGCTCTGAAGGATACTACCACAGTTT  
CATTAGCTAAAGTTAACAGTGATTATAAGGAGTTAGACATTGCTATAGTTAAGTCAACAAATCACGTTGAACG  
TCCTGCAAAGGAAAAACATATCAGAGCTATATTTGCAGCTATTTAGCTACCAGGCCTAGAGCCGATGTTGCA  
TATTGCATTCATGCTTTGGCAAGAAGATTATCTAAGACACATAACTGGGCAGTGGCATTAAAACTTTGGTTGT  
TATCCATCGTGCTTTCGCGGAGGTGGACCCACATTTTCATGAAGAACTGATTAAGTATGGCAGGAGAAGAAAT  
CAC

>trans\_c\_5832 FJ901247|Vitis vinifera CBL-interacting protein kinase 19 (CIPK19) mRNA, complete  
cds

TGATTAGAAAATAAGAAGTCAAAAAGCCCAAGTAATCTATCATTTGTAGCAGAGGTCTTTGACGATAAGTCCA  
TTGCTTCATGTAGTCGAACTGAAAAAATCTTTTGAGATTCATCAGCTTACAGACAGTTGTGTGAAAGACTGTC  
AAGTGATTTGGGCACAAACCCAGAGCTCGAACGGCAAATTCAGCTCATTTGCATTAAACAGTACATGTTAG  
AATAAATCTATACCCAATTATAGGATTTTTATTACAATTATTGTTGTTATTGTTATTTTATAATTTGGGTTGATAT  
CAAGCAAGGCCTTTGATAGGTGCATAAGTGGGTTTAAATGTAGATAATAGATGGAGCCAAATATTAATGGC  
AAGAAGCCTCCTTTGTGTATCCCCCTTTGTATGTAACACCGAATATCAAATGTAAAAGAACAGAAAGTTCATT  
TGACTATACAAGCTTGAGAATATAATCATACATCTCTCTCTTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_5833 U10046|Pisum sativum ribosomal protein L27 homolog (RPL27-5) mRNA, complete  
cds

TTGAAGAAGGGCCGTCATAGAAGGGTAAGCACAGAGGAGAAATCCGAAAATGGTGAAATTCCTCAAGCCCA  
ACAAAGCCGTCATCGTCCTCAAGGCCGTTACGCCGGCCGAAGGCGGTTCATCGTTCGCGCCTTTGATGACGG  
AACCCGGGATCGTGCTTATGGCCACTGCTTAGTCGCTGGAATTAAGAAGTACCCGGCCAAGGTCATCCGCAAG  
GACTCCGCCAAGAAAACCGCTAAAAAATCTCGAGTCAAGGCCTTCGTCAAGCTCGTCAACTACAGGCACCTGA  
TGCCCAAGGTACACTCTCGATGTCGATCTTAAAGACGTTGTCACTATCGATTATTGCAGTCAAAGGACAA  
GAAGGTGACCGCCGCAAGGAACTAAGAAGAGATTGAGGAAAGGTTCAAAACCGGAAAGAACAGGTGGT  
TTTTCACCAAGCTAAGGTTCTGAAGAGGCTCCTTCAGTTATGGGTTTGTCTGGATTACTCTCCTATTAGGTTAC  
TGAACAACC

>trans\_c\_5834 EU002490|Coriaria nepalensis RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

CAAACCCGGTCTTGATGAATCCATTTCTTCGCCTCTTTGCCAATAAATCAGAATTACCGTGGAATAATAGCAGGA  
TATGTGAGATTAGATTGACCCGTACATAGGATTGGATTAAGTTCTGAATAATCAGGAATCCGCCTTCGTTTTT  
ACCAGAGAGATCCGGACCATAAAATTTTGTCCCACTTTATCATTATTTACTGAAAGGCTAGAAATATATCTTCT  
TTCGACACAAAGAGAATGAACGTTAATTTGATCTTGATCCTGTAGAGTGAAAAAGGGACTACACTGCATCCG  
CACGAACCTCCTGATAATATCCATAAATGACTTGTTTTGGTAAGAGATGGACATTACTATATGTAAATTCGGG  
TGCATGGTACACGTCGGTACTCCAATGCATTTCTCCCTCTGAGTCAGAATAAATATGTTTTCGAACTCTCTCTT  
TAAATTAAGAGTGTATGTTCCCGCGCAATCTCAGCAATCACTTGTTCTGATTCTACATATTGATCATTTTG

>trans\_c\_5835 XM\_002323826|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

TAAACCCCATTTGTAAATATGCATTAATGACTGTTCCAATTGTCACTGCCATTAAGAATCGCTTTACATCGAACT  
ACAACACAAAGCCCTTGACTATGTTAATTAGTACCACCTTGTTAGTCAGCAATGTCATTGTAGCTCTGGCGATT  
CCCTTCTTCGGCTCTTTGATGTCACCTCGTCGGAGCATTTCTCAGCGTCACCGCTTCGATTATACTTCCATGCGTG  
TGTTACTTGAAGATTTTCGGGCAATTACAAGAAGCCTTTTGGATTTCGAGACAATCATAATAAGTAGTATCATAAT  
GGTAGGTGTTGTTGTTGCCATAGTTGGCACATATGTAGCTCTTGAGAAATTGTAGGACAAATGTAATTAATTT  
GTTTGTTTCATGTAGAATCTTTTTATATGTATTAATTAGATAAATATGAGGTTCCACAAAAGTAGTCGATGTATCT  
TTTAAGGATCGTCTCTCCCTATTTTATGTGTGGGATCACTGAATAGTTTATGAAAATTGATTCACTTCTA

>trans\_c\_5836 NM\_111934|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT3G10970) mRNA, complete cds

GGGGAAAATCCCAAAAACAAAAGTAGCTTTTCAGCGAATTTCAAGGCTCTCGAGCCATCGTCCCCTTCATCGTAT  
TCTTATGGACTGCACTTGACGCAATTTACAAGCTCTACTGCTCCTCTTTCATGGACACCCACTTCCTCTTCTCG  
GTTTCCACAGTCCCAATTCGTTTCCAAGCTCAAATTTCCGAATCTAAAGCGTATGAACCTGACTAAACATTCTAT  
GGTGGTGATGAGCGTTTCAGGTGCTAGGGAAAATGGTTCCTGGATAGGTTTCCCCTACCCCTAATAGGCTT  
GTCATGAAGGAGGTACTTGGAGCCAAATATGGAGAAGGATTTGAGACTCTTAGACCAGATGGTCCATGAAA  
GTGGATGAGGATTTTTGAACGATAGACTGAAAAACGGGTTTCTTCACAAAATTATTTATGTTGTGTACCAACA  
TGACGCATACAGCTGAATTTTCTTGTGATAATGTCCTGGATGATACTCACACTTTCGAGTTAAATGCATGTA

>trans\_c\_5837 XM\_002882406|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata TMS membrane family protein,  
mRNA

TGGTCTTCATACAAAATCTAAAGCGGTCTCCGTTGGTACACTTGTCTTGGAATGCTCACTACAGTCCTCTCTGT  
TATTTATTCTGCTCTTCGTGCTGGATCTTCAACAACATTTCTTCTCCACCATCTTCACCAAGAGCAGGTGGGAG  
TAAACCTCTTCTGAATCAGAAGACTTGGAGGATGAAAGAACAAAAAACTGAAGGAGAGGGGCAACCTGT  
CAGTTACTCTATACATTCTCCACCTAATATTTGCTCTTGCAAGCATGTATTCAGCCATGCTTCTTTCAGGCTG  
GACTAGCCTCAACGAGAGCTCAGACCTCATAGACGTCGGCTGGACATCCGTTTGGGTACGTATCTGTACAGAA  
TGGGTAACGCTGGTCTATATATTTGGTCGCTCGTCCCTCTCCTTTTCCCGATCGCGAGTCTTTTAGGTT  
TGTCATTACCTTCTGATTGTATGTTTGGCATGTTAATATATATTTCTATAACTATAATTGCTAGGAACCG

>trans\_c\_5838 NM\_001125678|Arabidopsis thaliana CPuORF48 (Conserved peptide upstream open  
reading frame 48) (CPuORF48) mRNA, complete cds

ATGCAAATGCGTTCTTCTCTCTAAGCTTTTACACAAAACCTCTGCCTCCCAATGCGACAACCTCAACATCCTCCT  
CCCATGACTTTTCACTTAAACCCTAATCTCTCTATATTTTCGACCTGCAAATGTCTTCATCGGAGCCAACCATA  
CTTCTGCTCGATTTTGTCTCGATAATTTTCTTACGCTTTCTTGATTCTTTTAGGGTTCTAATCATCGTGTGTATT  
TCTCTGGCAAGTTCGAAGGTGACGGCTCCGCCATGCGAACCTTTCTATCTCTGAGGAATTTCTTAGGGCACT  
CCTTGTTCTGTTTTCTATTAGTTGCTCATTTTTCTTACGTCGTCGTTACCACTGGTCAGTCTTGTATCACTGGC

AATTTCTGTTTCTCCCCAAAATTTCCAACATATCGAGCCACTGGATTACATCCCAGAGCATCGGCGATTATCGAT  
GGCGCAGCTCCCTCCGCTGAAGAACTGTTGCGTCGTGATCTTTATACTACTAAAGATTGGAT

>trans\_c\_5839 GQ997942|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

CGGGGTGACTACTGTATTGGGAATCACAATAGGCGTACTAGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCCGC  
AGGAATACAACAACGGATTGGACCTGAATATGCTGGTCCTTTGGGAGTTCTTCAAGCTTTAGCAGATGGTACA  
AAACTACTTTTTAAAGAAAATCTGCTTCCATCTAGAGGTGATACTCGCTTATTCAGTATGGGACCATCCATAGC  
AGTCATATCATATTTACGCCTATATTTAGTAATTCCTTTTGGTTATCGCCTTGTTTTAGCCGATCTACCTATCGGT  
GTTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTGTGCTCCCATCGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCCAATAATAAA  
TATTCCTTCTTAGGTGGTCTACGAGCTGCTGCTCAATCACGGCTGGCGTCCCGCAACGGCCAGAGCGTGTGCG  
GCGACCGCGAGAGCATGTGTCGGATGGTCTCACGCCAGGAGAAACAGGGGGGGATCTCCCTTTGGTTTTT

>trans\_c\_5840 NM\_001072523|Oryza sativa Japonica Group Os12g0115900 (Os12g0115900)  
mRNA, complete cds

TGTATACATTGGCCTCTTCAAGCGAACTTCTTGCTCGAAAAGTCTTCTCAACCGTATTTCCGGTCACGTAATTGC  
GAATTTTGGTCCTTACAAAAGCTGCTCCTTTGCCAGGCTTAACATGAAGGAACTCTAATACCCGCCAAGGAGCT  
CCATCCACTTCAAGATTGGTGCCAACCTTTGATGTGCTTGTAGTTAACGCATAAACCCCTGAAAAATCCGGTACG  
CGAACTTGGGGAGGAAGAGCGCGAGGTTGAAAAACGGGGGACTTCAAAGGAAGCGAAAGGGAAGTCTTT  
GAGGATGAGGTGCGGGCGAGAAAAGCAGAAACCAACGAGGCATTACAGAGGAGAGTTCCAGCCATAGGTG  
GGGGGGTCTCGGCAACTATATGTAATTGTACAACTGCTTTATTCTTAGCCTGAACCTGAAATGAAGCGTCCA  
AGATAAGGACTGTTAGCCGGGAGGTGCAGGATTGGGTCCGGCGGATGGATGAACCTACTTAAAAGGGGAAC  
TTCGTGT

>trans\_c\_5841 AY105020|Zea mays PCO098402 mRNA sequence

TGAGAGAGTGTGAGAGAAAGCTTCATCCTGCCCAATCATGCCGGCCGGCCATGGACTTCGATCTCGTACCAG  
AGACCTCTTCGCCAGGCCCTTTCAGGAAGAAGGGTTATATTGCTTTGACTACCTACTTGAGGACATACAAAATTG  
GCGATTATGTGATATCAAGGTCAAGTGTGATATGGATTAGGTTAAGCAAATTATGGAGAGTGAATAAGA  
AGATTTGAGTTCTCATCTCCAGCAAAAAGCATGTGACTGACGTTTGATGAGTTCACGTCCATGTCTACTATTAG  
CAAGATTGAGGTAGTGATATCGACTACAAATTTAATTGCATATGATAGTTTGGTCCTCTTAAAATTCATTGAAA  
ATAGTGGAACCTTCCTCATACATAGGTCTGATACTTTAATCTTATCCAGGTGGACTTTGAGTCTGGTCTAAAGA  
CCAACCTAACATTGAATTGCATCTAACACGATACCAGGTATTAATATTAAATACTAAGTTATATTGGCTAGA

>trans\_c\_5842 Novel Gene

AATTCTCAAAATTCGCCGGAGCCTCTCAAAAATGGCGGAAACGCACGACTCCGATGCTCGGAATACCACCGTG  
CCTGTTGAGGAAGAAGATGCATCCAGTCATCAATCCAAAGGATTGTCTATTGACGATCAGACCGTTTATGAAC  
CTCTCCGCCGTCTGATCGCTGAGATTTTCTTTCCCGATGAAATTAAGGGTCTTTGTTTCATCGCGTCAAGGTCT  
CCGTCGCTGATAATGGCCCTGCCGTTGGACAAGCTTGAGAACTTTGGTCACGACGTTCTTTCTTGGACTCGT  
AGGGGCAGTCTCTTCGAGCGCTCCTTGTTATCTCTGTTGGGACAATTGTTCTTCTTGAATGACGGGATCACT  
CATCTTTCTGTTATTCTTTCTGGCAGCCACTCTCAATGCCATTATTATCTCTTCTTGTATCCTTGGCAGCAGTT  
GGAGGCTTCTTGGCTCTTTCTTTGCTTGCGTAACAGCCATATATGTGGGAGCATTAGGAGTTGCTTT

>trans\_c\_5843 AF387795|Cucumis melo transcription factor (EIN3) mRNA, partial cds

ATATCTGATACCAGGTGAAGGCAGTAGCTGATTAGGATTTGTTTTGGTGTAATCTGGTTGTTGCATCTCACA  
CGAGTTTCGTCATCTTAGTTTGGAAAATATTTGCTGATTCATTTTTGGGGGAAATGATGATGATGTTCAACGAG  
ATGGGATTTTGTGATGATATGGATTTTCTTCTGCTTCAATTGTGGAAGGAGATGCTGTAGCTCCACCAACGGA  
TCCTGAAGTCGTGGTGGGAAGACGATTATTCTGATGAAGAGATCGACATGGATGAGCTTGAGAGGAGGATGTG  
GAGGGACAAGATGCGTCTCAAACGTCTTAAAGAGCAAAGCAAGGTTAAGGAAGGGATCGATATTGTGAAGC  
AACGACAGTCTCAAGACCAGGCTAGGAGGAAGAAGATGTCGAGGGCACATGATGGGATCTTGAAATATATG  
TTGAAGATTATGGAAGTCTGTAATGCTCAAGGTTTTGTATACGGAATAATTCCTGAGAAGGGGAAAACCAAGTAA  
CCGG

>trans\_c\_5844 NM\_125590|Arabidopsis thaliana signal recognition particle-related / SRP-related  
(AT5G61970) mRNA, complete cds

AATTGGCAAATCAAACTTCCAAATTAGCAATCAGTGGGATTCATACGGAATAATCCAAGCATTGCGAGCAGC  
CGTCGTTACTTCCCACAGATCGTCACGCCAATTCAAGAAGATACGTCCGTAGGCTTCTGATTGCGAAGTAGAG  
CCCAATGGCGTCCATGGAAGTCGACAGCGCTAACTCCAATACTTCTGACCCTGATAATCCTAGATTTTCCGTTA  
ATGTATTGCAGCTCTTGAAATCTGCCCAAATGCAGCATGGGTTACGTCATGGAGATTATACTCGCTATCGGAG  
GTATTGCACAGCTCGGCTAAGAAGGTTGTATAAATCTTTGAAGTTCACTCATGGCCGTGGAAAGTACGCCAAA  
CGAGCTATAACTCAGTCAACTGTTAGTGAAGTCAGGTATCTCCATGTGGTTCTTTATACGGCGGAGAGAGCAT  
GGAGTCATGCCATGGAGAAAAGGCAATTACCAGATGGTCCAAATCCACGCCAACGTATCTATTTGTAACCATT  
T

>trans\_c\_5845 XM\_002325288|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP749A1v2), mRNA

AACGACTTTGCTGGCAATTCCTACGGTAGCAGTTCATCATGACACAAAGTTTTGGGGAGATGATGCACATGAG  
TTCAAACCAGAAAGATTTTCAGAAGGGATAGGAAAAGCCACCGAAAAAACTCTGCTGCATATCTCCGTTTG  
GATTGGGGCCTCGAAACTGTGTGGGGATGAACCTTGCAACAAACGAAGCCAAAATTGCAATGTCAATGATTCT  
ACAGAGATACTCCATTAGCCTATCGCCGGCCTATGCACACATGCCGGCGCAGTTGTTAACCATTTGCCCCAGA  
ATGGAGTTCAAGTGATACTAACATTCAATAGCAGATTA AAAAGCTTAAAATGAACACTGTTTGGAATATGAAA  
TTTACTTGTTTAGTAAATTTTAAGCAGCTTCAAATTAATACACTGTTACTTAATGTAAAAATATATGGTTGTTT  
GCCATAAGTGTACCAAACTACATTACTACTGTTACCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5846 FJ231526|Melaleuca quinquenervia chlorophyll a apoprotein A1 (psaA) mRNA,  
partial cds

AAAGAGCCGCCACGCTAGCTTGGCCGCTCGCCGTGAGCATGCCATGACGTTGTTAGGATCTCATATAGTCCTT  
TAGTTAAAGGGCCTGTAAATGGACCTTTAACTCGGAGATTTATATCTTTTATACCATGACCAATGCCCCAGTTG  
GTCCTATACATGTGACCCGCTATCAGGAAAAGAATTGCAATAGCTAAATGATGGTGTGCAATATCGGTTAACC  
ATAGACCCCGGTTACTGGATCTAACCTCCGCGAAAAGTAAGAAATTCGCATATTTTGACCAATTCAAAGTG  
AAAAATGGGGTTGCTCCCTCAGCAAACTAGGATAAAGTTGCGCCAAAAGATCCCGATTCAAGATAAATTCAT  
GAGGAAGTGGAATCTCTTTAGGATCTACTCCAGCATTTAGAAATTGGTTAATCGGTAAAGATACGTGGACTTG  
ATGGCCCGCCCAAGAAAGAGACCCAAGTCCTAGGAGACCCGCTAAATGGTGATTCAACATGGATTCTACA

>trans\_c\_5847 BT028948|Arabidopsis thaliana At1g15120 mRNA, complete cds

TTTCCTCTCAGATTCGTGTTTCAGCTTCAAAGGTTTTCTTGCCTGCTCTTTGCTCCAAGTCAGTACTATTTGTT  
AGCGATGGCGGATGAAGAGCCCGTTGATCAGAAGAGGTATCTTGAAGAAGCTTGCAAACCCAAGTGTGTGA  
AACCACTACTTGAATATCAGGCATGCGTGAAGAGAATCCAAGGAGATGACAGTGGTCATAAGCATTGCACTG  
GACAATATTTTGATTACTGGTCTTGCAATTGACAAATGTGTTGCACCAAACTATTTACGAACTAAAGTAATGG



GAGAGAGTTGTTAGGGATGTGGGGATCCTATCCTTTTGCTTTGCAGCATTTTTCTGATTTTTATGCAATGTC  
GTTTTGTGAACCTTGATTTTTGCATCAACAAAAAATGCCAGGGCTGTGAAATTTTATAAAAACTGTCATAGACC  
TTTAACCATGGTCAATAAGAAAGGAGATTGGATTACGTTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5848 NM\_001057485 | *Oryza sativa* Japonica Group Os03g0690000 (Os03g0690000)  
mRNA, complete cds

AATTGTAAAGAGGAATTGAAAGATAGTGAAAGATCTGAAGCCATGAACGTAGAGGAGGAAGTTGATCGACT  
CAAGGAGGAAATTAAGGCTCGGCAAGCTCCAAGATGATGGTTCTTACAAGGTAACATTTGGGGTGTGTT  
CAATGATGATAGATGTGCTAACATATTCGAAGCACTGGTCGGGACGCTAAGAGCAGCAAAGAAGAGAAAAAT  
AGTGACTTATGATGGTGAATTGTTGCTGCAAGGAGTTCATGATAAAGTTGAGATCATTCTCAAAGCCATTCCA  
ACAACAGAAGTTGCAACCACTGCAGCTGTGAAGACGGCCTGAGTAGTGATGGATCCATATGTAATATGAAAA  
AACAGTGCTGCATCTTCAATTTCTATGTTTTATAATCAATATTGAGTATCACAATTTTCATTTAGTTATATGTTTC  
TTAAATTCCTCGTGTCTAGATATGATATCGTTTGTGAGGGAAAATAATTTATCAAATGGCGGAATTGAATTGT

>trans\_c\_5849 AB293950 | *Nicotiana tabacum* RsRG3-13 mRNA for hydroproline-rich glycoprotein  
like protein, partial cds, responsive to *Ralstonia solanacearum* infection

GAACAATATCCTGTTGACCCTCTTCAGAAACGGGTCATCCAACCTTGAGAAAGCTAAGGCTGACAAGAAAAGG  
GTGACCGAGGCTACAAAACCTCAACCAAAGCGACCCCGTGCAAACGGTGTGTTATGCCCACTCATGAATA  
ACAACAATGTTGCTGACAAGAACTTTTATGGTAGAGTGACAGATAGATACCCACAGTACATGTACGATCGACA  
GTACATGTACCCGACCCCTAACGACAACCATGCCCATCCCTCTTGGGTTGCGCCATGTACAACATGTCTCCTG  
CAGCTCATGGAACTACTTTGGAAATGCTTACCAGTATCAAGCTGCTGCGTATCTTCACTGAATCAGATCAATG  
ATGGTAAGAGGTGACTATGATCCTTTGTTAACTGTTTAGAATATTAACCCCTCAATGGCTATTGGCAGTGTATGA  
ATGAAGTTTAGTAGTAAACTCTGAAACTTACCCAAAAACACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCTTGT

>trans\_c\_5850 NM\_001186983 | *Oryza sativa* Japonica Group Os04g0390100 (Os04g0390100)  
mRNA, complete cds

CAGAATTATCGTCTATTTTATTATTGTTAATATTTTATAATTTCCATAAATTACAACCAAAAATTCCTGAGGTTGA  
AACGAAACAACAAAGATGACCAACCAACCAACCCACCAACCAACCCCACTCCAACCAACAACACAAACAAAAAC  
CGAACCGGATCGGACCAAGGACCCCCCCCCCAAAAAAATCCATTTTTCTTTTCAATTCATTTCTTTTTCTTTATAG  
TGAGAGCTCATTTTAAGTTTACATACACATATTGTCTCTATTTACAGATTATGGATTTTTCAAATAAAGATGAAA  
TCTCAGCCGTTGATCGGGAATGTTACATGACGGAACAAGCGTTGGGATTCTCATCGCTGAACATCTGCGGCTG  
ATCGTTTTGCATGTGGTGGGAAAATGAGGGTCCATTGGGACGACGTCGTATCTATGGTCTACGTAACCATG  
GTTATTGTAACCATAGTTGTGGTTATAGTAGTAACCTCGGGTTAGCTTCCATTGAGTAGCTTTGGT

>trans\_c\_5851 AL161556 | *Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 56

GAAGTGGAGGAAATTATAGCAACGATTATGCCAGTGACAACCGTGGAAGTGTGGTGGCTTCGGTGGAATG  
ATGCTGGCTATAACGCTGCTAGCAATTTTGCTTCTGGAACACATTGGTAGCGAAAGTAATGCAGGTTTTGG  
TAGCGGCAGTGCGGCGACTATTTGCCAATGGTAGTGGGGAGGGACAATTTGGCAGCAACGAAACAAATTC  
CATGAATGCATCTGGAGAGGAGCAATTCGAAGAAAATGCTAGGGACGGAGATGACACAGACGACTTTGCTAA  
AAGAGCCTGATAGATTTTCCATATGCACTATCCATAGTCAACTTCATCCAGCATTTTTGGTTATGGCTATGTAG  
ATTTTCCCTACATTCTACCATACTGGAACCTCTGACTTTGTTTCCATATGTTTGAGACTTGCTTCGATGATTGTG  
AATTTTCAATTGAACTTCCAATCTAGTTTCTCAATGGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5852 Novel Gene

TTCTTTTTTTACTCTTCATCTTCATCGACAGAGGCTGAAGGATCGACCGTCCTCCATTGTTCTTCTAAGGCAAA  
CCCTGTTTCGCCATCGACAATGAGAGCTAAGTGGAGAAGAAGCGTATGAGGAGGCTCAAGAGAAAGCGCCG  
AAAGATGAGACAGAGGTCTAAGTAGTTGCAGATATCAGGAAAATGATCGAGCTTTCTCCTAAGAGTGGCTAA  
TATCTCCATTGTTGTCTTGCATTATTTGCTTGAAGGTGTGGAGGGTGTAGTTTTGTTCTTATGAAGATAGGTTT  
ACACCATTTCTGTGGTTTTTATTACTTTGGACAAACCTATATGCGCTGACTCGTTTTCTTCTTAAGATTTGGTAT  
AACTTATATTATGCTTTTAATGCTTTTCCGAACTCGTTCCGCTATTTAATAGCCTTTCTATTCAAACCTGAATATC  
ATTGTGTTGCCTTGTTAACGTGTCGATTGGTACCTTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5853 Novel Gene

GAGGCTTTCTCTGAGGTTTGTAACAATGAACCTAATTCTCGATGGTTGTCTGGATCTTATTGGATCCTCCCCATT  
TCTCCATGGGAGTAGTGATACTTACATGGTTTTATTGTCATAAAGACCTTATAAATATACCCTCTAGAGTCAAA  
ACTCATTTCTTCTTTGGCCACATAACCTGTAATTTTTGTTTATTGTCATACTTGGCTACTTATGAAAGAAACAATT  
GTAATCCTGAATCCATTATCCTTACATCTTTTTCCCAAGTAATAAAAAGATGGTTGTATGATTAGGTAGCATCTG  
AAATACACCCCAAGGTAGTTCCTGGTTTCCTCAAATGATGAATATTGAATTACTTGGAGTAGCTCATACAG  
ATGGCTGGTCAACACATTGGTAAAGCTAAAGACGATGATTACAGGAACATATAGAATAGAGCTGATAAGATT  
CTTATGGAAGTGGATATCAAATCCCACTCATGTTTTTTTCAGGTCAGTACATCTTCAGTTTTTC

>trans\_c\_5854 AF412077|Arabidopsis thaliana AT5g02480/T22P11\_70 mRNA, complete cds

AAGGGGAAGAAGAAAAATTAGTTGTTTTTGGTGTTTTTGTGTTGTTGTTGTTGTTGAGAAATGGTTTTTGATG  
ATTTAATGAAGACTTGCATCATGGTTGGTTATGGAGGTCACTCATCTCTGTATTCCCTGATGTTTATACCAAAA  
GGTACTCTCATTGAAGATCCAATTCCATTTGTCCTTCTGGGTCAATTGGAAATCTAGAAATTACTTTATTCAAT  
TAGCTTAGTAGTTTGTTTCTTATTCTTGTGCATATGGGTGAGTTTTTTGATTGAAAAGAAAAAGAAACAA  
GGGTAGTTTCTGGAGATCTTGTTGGAATTTTGGAAATTAGAATGGATTTGATGAGTCTGATTCAGTGTTCCT  
CCTACGTGTGGAGGATATCAAGAGATTTTAGGGTTAGGGTTGGATATTGTGTTTCTATAGCGTCTGTAAAATC  
TGTTCTTAGATAAGGATTTGTGTTCTACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5855 Novel Gene

AGACCCTGTTGAGCTTGACTCTAGTCCGACTTTGTGAAATTTTTAGAGAAAGACGAGGCTTTGTTTCATTGACTG  
AAGTCGATCTTCTCGAACCGCTCCGTGGGGTCGAGCGAGTTCCTCAGCAGGACACAGGTGTGAACCTCTTTT  
TCTTTTCGCCAGGTTTCATTGATTTGTTGTGGATTGGATGATGGAAAAACCAGCAAGCCGCTTGACCTTTCA  
TACGAGGTCAAGGGTCAAAGAATTTGAGTTGTGAAAAGGTTGGAAGATCTGGCCAAAGAAGGTGATAGCCCT  
GTAGATTGTTCCCATGGTTGATCCTTCCAGTCAAACGCGGCGTGTTCGAATTCTGATCGCTTTTACGCGAG  
AAAGGGGGACCACTCTAAGCCTAAGTATTCTCAATGACCGATAGCGTACAAGTACCGTGAGGGAAAGGT  
GAAAAGAACCCTATTTACGCGGAACCGGCATGTCGTCGGAGAATGTGTCTCACACTCACACTTGTGC

>trans\_c\_5856 NM\_001035818|Arabidopsis thaliana RWP-RK domain-containing protein  
(AT3G59580) mRNA, complete cds

TTACATATTAGAATTCTTTCCACCTGTCAATATGAAAGGAAGCTCAGAACAGCAACTTTTATTGAACAATCTCTC  
TGGTACCATGCAAAGAATGTGCCGGAGCTTGAGGACAGTTTCAAAGAAGAATTAATGGGAGCCAGGGATCC  
TAATACTGGATTTCAAGAGTGGTGGACTGATTGGGAAGTCTGCAACTACGTCTAGGAGAACTCACAATCCACG  
GTGACAGACAGTGAACAAGGGTATCTAATTCAGTAAATGATGGAAGTGAAGCAGAATTTCTAAGAAGCAG  
GTTATTTCACTTCTGCGAATAATCACATGCTCATGCGCTATCGTCACCTATGTTGTTGCCCTTTTGTCTTCGCTT  
ATTTGTCTTCTCACTTTATTATTTCAATCATTCACTTCTATGATACTGATTGTTTCTAAAGAAGGCATACAATTC  
TTGTTTACTTAAATGCATAAAAATATTTGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5857 GU732452|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D28)  
mRNA, complete cds

GGGGAACCTACCTTCCCACAGCAACAACAGCCCTTCACGATGGACCCAACAAATCCTTTTGGGGATGAAGGTT  
TTGGAGCATTCCCTGCTCCTAACCACCATACCGTACCACCGCCTGCAAGCAACCCATTTCGGAAGCACGGGCCTC  
CTGTAGAGCACTCGTGGTACCATCTTCGACGTGTAATTTAGTCAACAGATTTGATTTTCATCATATTTGGCGGGA  
TGTAAGGGTTGGTTTTTGTGGACGAGCTGCAAAGAACCGGTTGGTTTGGGGCGTGCGACATTTGTTTTGGT  
TGAACTTTTCATTGAGAGTGAATAGTGAGGTGTAATAAGTAGTAAATGAAATTCACGACAATTTCAAGTTAGC  
TTCGGAATACTTGAACTCTGCTGATTTTGTGATGCTTTTCTCATAGAATTCGGCTATATAATTTTATGCATAC  
GTATATAGTTCATCAATTCATCATGTTTCTGATCCTCCATTGTAATGAATTTCTCTTTGTAC

>trans\_c\_5858 NM\_001062037|Oryza sativa Japonica Group Os05g0404300 (Os05g0404300)  
mRNA, complete cds

GGGAAACCGCCGATTTGCGCGGAGAATCGGCCGCCTCTTACCGGAGCGATGCCGACGACGAAGACGAGAA  
CGTCAAGCAGCTCAATGAATGCTCATCCTTCTACTTATCGTTACAGGATTGTCTTATCAAACTAACAGGAAT  
GGAAATCTTGCCAGGCCGAAGTTCAAGCTTTGAAGTCTTGCAAGTGAAGAGAAGGAAATCTGGCCAACGCAAGT  
GAAGATTATTCTGCAAAGGTGCACATATGTAACAAATAATATCTAAGATTTGTTTTATCTTGTCTAGATGTATT  
TTGTGACCTCTAGAAGCTTGACTGTTCTTGAAGTCTTCCATTATGTAGAGATTTTCTAATAGTAGGAAGAGT  
GGATCGAACCTTCTGCTGCTTCAAGAATGAAAAAGTATGTCAATTACCGCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5859 Novel Gene

TACTCTTCGCGTAGTGAACTTTCCATCTCTATATTTTAGCGTTTTAGAGCAAGGGCGTCTTTGATTATAATGGC  
GTGAATTGCATTGAAGGTTGGCAATACTAACGTTTAGCGATTCTCCGTGCCTGGCAAATCTTTTGGTTTTGATC  
ATGGCCTCGAACAAAGTCGCTACATTCATTCAATCTCCTAATCTTCTTCTGTTTCTTTTCTGACCTTTTTATGAG  
CTAGATTTTTTTTAGTAAAGAATTTTGTGATTTTTGTTTAAACGAAACCTTTTACTCCTCGCTGCTTTCATTCAA  
GAGCTTTTGAAATGAGACCTGGAAGATTGAATCTGAATTCATACAGTTGTGGATCTAATCTCATACGTTATCAT  
GATCTCTGGTAAACTCATCCGTGAGGATGTTCTTGTTATACCTATTTTTTACTGTTTCAGGTTTTTTTGCTAGG  
CTTATCTCTCGTAGATTCTCACTTCGAATTCGATTCTTAACCATAACCTCCTGC

>trans\_c\_5860 AY178388|Trifolium repens microsatellite agr1107 sequence

AGGTCAGCTCTTAAGCAAATCAATCACACACCACCAGAAGAAAGAAACAACATCTCATTCTACCAAAGAA  
AAAATATCAACTCCAATCTTCTCCATACTATGATCCTTAGAAGTGCTTCCACTCCCCTTCTCAATTCATGGTTA  
CACCATTCAAGAGATTCGTCCTTAGAGCCTGAGATTGTTTATCAAATCCCAAATCGCGTTCATTCTCCTCTCT  
GGCTCTCCAGTTGTTTATCTCCGATAATCGACGATTACCCTCGGAGGATTACTCGAACGCTTTCCGAGACGGA  
TCTTCAGGACCTGTCTATGGCTAAGATGAAACCTTTAGCAGGACGCTCGACAAAATTTCTGAAATGGCCGAA  
GAAACTCATGGGGTTGGGTTTAGCTGCTCCAAAACCGCTCTTTGAGCTGTGGGTGATTTCTGAAACTGGGG  
AGGATGGTGGGTTTGTAGTGTTTTGGTTGGTGGTGGGGTTGGTGGTAGTGGGGGANGGAT

>trans\_c\_5861 NM\_001061004|Oryza sativa Japonica Group Os05g0116000 (Os05g0116000)  
mRNA, complete cds

AGGGTTCGGCCTCACACTCCGCCATGAATGAGGATGCTCCGTCCGTGTTTTAGAGCGATTGGAAGAGAAGA  
ACTTCCTTCTTTTCTCGCTCTGTCTCGCTGGCATCGGTGATTTCCCTCCGAATCTCTCATCTTCTTCTTTCTT  
TTCTCTTCTCTTCCATTCTGTGTGTGTGTATGTATATATATATATAATGATGCCTGTCTCTGTCTCTGTCTCT

>trans\_c\_5862 AB236868|Panax ginseng mRNA for ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase small subunit, complete cds

>trans\_c\_5863 NM\_001065603|Oryza sativa Japonica Group Os07g0185900 (Os07g0185900)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_5864 Novel Gene

>trans\_c\_5865 FJ238512|Populus tremula x Populus alba temperature-induced lipocalin (TIL)  
mRNA, complete cds

ACAAACCCAAAATTTGTGTTTTGTATTTCTTTCACAATTGAAACAACAATAATGGCTAAGAAAGAGATGGAA  
GTGGTAAAAGGGTTGGATCTTGAGAAATACATGGGAAGATGGTATGAAATAGCTTCAATTCCTTCAAGAAAT  
CAACCCAAAAATGGGGTGAACACAAGGGCTAATTATTCACTCAATGAAGATGGAAGTGTGAAAATGGTGAAT  
GAAACTTGGAGCGATGGAAACACAAGTTCATTGAAGGTGTGGCTTATAAAGCTGATCCTTCAACCCAAGAA  
ACTAAATTTAAAGTCAAATTTTATTTGCCTCCTTTTCTTCCAATAATCCAGTGGTTGGCAATTATTGGGTTTTGT  
ATATTGATGGAGATTATCAGTATGTTCTTGTGGGGAACCTTCAAGGAAGAATCTTTGGATATTGTGCAGAAA  
CACTCAACTAAACGAGGAGATATACAATGAGCTGCTTCATTTGCGCAAAAAGTACTGCATACCTG

>trans\_c\_5866 Novel Gene

AAACTTGTTTCATACCAGCGGGAGATAACCCTACACAATATTAACCAAAATTGGGATTATCCGCTAAGAATTAT  
GGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTACGTGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATGATGAAAACGTGAATCCCAAC  
CATTTATGCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGGCGGACACCTTTTTTTGTTATCTAAAGGCTTTGACTCTGAAG  
TGGGCTTTGACTCGGCCCAGCGGGCGAGGCGGGCTCCGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTTCTCAGCACTT  
GAGAGTGTGCGCTTTCGTTTTCGAATGTCTCGTTCAGCCTCACGAGTCTACAAGCCTTTCTCATTCCAGTGCTC  
GCCTTTGAGTAGGGGTCCCAGAGAGCGTACCGCCATAGTCGTGAGTCTGTGCGCAGCTATATGAGATGTCA  
TAGTGAACAAGGTTGAAACTTCCAGGAAAAAACTCTTTTTGGGAGGGCGATTTCTTTAAC

>trans\_c\_5867 EU017204|Scaevola aemula photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene, partial  
cds; chloroplast

AGGACCCCCAAAAGTAGAGTTTTCGGCGGTGAAACGCCTTGTGATCTTCAACCAATTTTGGGCTTCAATATAAT  
TACCGGGAGTAAGCGCTATAGCTTGTTCCTCAATACTCAGCGCTTGATTGAACCAAGCCTCCGCAATTCAGA  
ATCTCCCTGTGCAATGGCCTGTTCTCCCCGGTAATGACAGATCACAGCCATATTATTAAGCTTGTGGTAAGA  
ACGGGTTTCGTTCTAGTGCCCGAAAATAATACCCGTTTCAGGGTGATGTTCTCCGTTCTTGTGTGGATAAGA  
CCTATGTTATAGAGTATATACTTCGATCATAGGGATCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAATTCTGTAG  
AGCTTCCGCATAATTTCTTCGGATTGAGCCGACATCCCATCTCTGTAATAGGTGAATGCCTCTTTTTCCCGGA  
AGTTGTGCGGAATTATTCGTAATAAGATATTGGCTACAATTGAAAAGGTCTTATCGA

>trans\_c\_5868 XM\_002322953|Populus trichocarpa glutaredoxin S16 (PtrcGrx\_S16), mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAAGCTTAAACCATCTACTAATTTGAAGTTTAAATA  
AACAATTTCAAAACCCCCAAATCTTCAGGTCTTGCTTTGAGAGGAAATAAGAAGAGGGGAGAAAAGGCTTTTAA  
CAAATTAGTTTGTCAACTTGATGAACTTTAAACTACACTTCTATGGAGCATCTGGCAAAGCATGGAAAGCA  
GGCAGATCTCACCTCCTTCCAATCATGCCTCTCACTCCACCAAAACATTGGTTGCTGAAAGTTCAAATTTGATA  
ATCACTTCTTGAACAAACCAGTAAGTTCACCTTTTTCATGCATAGAACTAAGAATGTCACAACCTCCAATTAATT  
GCCCATCCACGAAGATTTGAGGAAACGTAGGCCAGTTACTATACGTTTTGAGAGTTTCCCTTAGCCATTGTTG  
TATTCTTCATCGAGCACATCAACACTCTCGTAGTCTACGCCTTCAGTTT

>trans\_c\_5869 Novel Gene

AGCAGAGAAACATTCCCGCGGAAAGATTGATCGGCTGTTGACCGTCGCCGGAGGAAGAAGCAGAATACTCC  
GACGCCATGTCAACCTTCGCCGGAACGTCTCCTCCTCCGTTTGAAGATGCCACCATCGGATTTCGATCCTCGCCT  
CGCTTCTCAAAGATTTGAAACCTTTTCAACTTTCCAAGCCGAGTCCGCCGACGACTCCTCACCGACCTTCGGAA  
ATCTGCCCTACGACCTGGGAGACGACCTTCGCCGACTCCGCTACTAATTTCTCGGCGGTTGGAGGATTCTC  
GAGTTTCTCGTCGCAGCAGAACGGGAAGGGTTTTGATGGAGGTTTTGGCGAATCGGACGGCCCCGATCCTCTC  
GTCGCCGACGGCGATGGAACCGGAGGAAGGATTTCTTTGAGAGAGTGGCGGAGATTGAATGCAATTCGATT  
GGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGGAAAAAAGG

>trans\_c\_5870 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

CGAGCTTGGCTTCCCGTCGAGCGCAAGATAGGTATATTTATGTTTCGTATATTGCCGGAGTTAACGTCACAAAG  
AAATTAGTCGATGTGATGGCTCCTGTTTGGAGTCTCCATCGGCTGTTGTGCGAGATCTTCCTTCTTATATTTCTA  
CATCTAGGATCCGACTTGTATCATTGATACTACTAGGAATTGAATCATTATGGCAAGGAAAAGTTTAATTCAGA  
GGGAGAAGAAGAGGCAAAAATTGGAACAAAAATCGACGGGTCGGATGAAGCTTTTAAACAAGAAATAAGC

AAAGTTCCATCGTTGAGTGAGAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATCCCTACCGCGTAATAGTGCACCCA  
CACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTAAACCGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGGCTCTCTGGACAC  
ATACTTCGTGAAATGGTTCATGCACTGCAACGGCTCTGTAGACCCTACCTAAGCATAGA

>trans\_c\_5871 Novel Gene

AATCATCAAACAATGGGTTTAAAGCAAATCATGCTCTAGCGACTTGTGGAGCGCCACGAATGTGGAGAGCGG  
ATAGCTTCACTACAAGTTTTTGGAGACTTAGAGACTTTGTATAGAGAAGGATTTCCCGCGGCGCAGCGTTCT  
TCCATACCAACTTAGCTGCCCCGGCGCTGCTATTGGCATAACAACCGGTACACCATGAACCAATTTGGTCCAGTC  
CTCTCGTACTAGGGTTGGCTCCTCGCAGTTCTCCCTTTCACACCAACGGTAGATAGGAACCGAACTGTCTCACG  
ACGTTCTAAACCCAACTCACGTACCACTTTTCATCGGCGAACAACCGAACCCTTGGGACCTTCTTCAACCCCAGG  
ATGTGATGAGTCGACATCGAGGTGCCAAACGACTCCGTCAATAAGAGCTCTTGGGAGTCATCAGCCTGTTATC  
CCCGGCGTACCTTTGATCCGTTGAGCGAGAGCCCTTCCACACGGAACCTCCCGGATCACT

>trans\_c\_5872 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome l, complete  
sequence

CAAGCGCGGGTAAACGGCGGGAGTAACTAAAGAAACAATTTTAATATCGAGTGGGATTTTTTAATGAATCCG  
TTTTATGTTATTTTCGTACTATGCAATTCCTTTGTTTGTGGGATCATTTTCTCACGAGAGGTAATTAAGAAAT  
TATAGAATGGGGTTGTTACCGATGCCTAGATCTGGTGGGATAAATGGAAATTTTATCGATAAGACCTTTTCAA  
TTGTAGCCAATATCTTATTACGAATAATTCCGACAACCTCCGGGGATTTTCTCCGTAAGTGGATAATGTCTCTAC  
CCTTGTCGGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCGGAAGCTCTACAGAATTATTATGAAGCTATGCGACTAGAAAT  
CGATCCCTATGATCGAAGTTATATACTCTATAACATAGGTCTTATCCACACAAGGAACGGAGAACATACAAAA  
GCTTTGGAATATTATTTTCGGGCACTAGAACGAAACCCGTTCTTACCACAAGCTTTTA

>trans\_c\_5873 Novel Gene

ATTCTACTGTCTTCACATTTATTCTTCCGCCGTTTCGTCGACGCTTACCTGACAGAGATCACTCGGACTTTTTTGC  
ATCGTCGCCATGAGAGCTAAGTGAAGAAGAAGAGAATGAGGAGGTTGAAGAGAAAGCGCCGAAAGATGA  
GGCAGAGATCGAAGTAGTGGCCGTTTTCTGAGGGATGGTTTCCGACCTAGGGTTTTGGTACTCTTTAGTTTT  
ATTTTTCTCATGCGTAACTTGGGTTGTTTTAAATTGTTTTCTGATCGATACATTTTGTGTCTTGAATCCAGAAC  
TTGTTTTCCAGCCTTATAGTTTTTATCTACTGATTTTTATATGCTATATATTTGTTCTAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGGGCCCCCCCCGGCCCCGAAAAGTTTTTCAATCCCCCAACCCCG

>trans\_c\_5874 FJ606761|*Capsicum annum* xyloglucan-specific endoglucanase inhibitor protein  
mRNA, complete cds

ACCCAACATCGACTTAACAAATTCCTTCACCTACACCCGCTCTTCATCAACCCCGTCAGTACCGCTGGCGTGTG  
CTCCGCCGGAGAAAAATCCACGGAATATTTATCGGCGTTACCTCCATCGTCGTTAACTCCAAACCCGTCCCAC  
TCAACACGACTCTTCTGAAAATCGGCAGCAACGGAAACGGCGGAACCAAAATCAGCACCGTGAATCCATTAC  
CGTACTAGAATCTTCAATATACAAAGCGTTGGTGAAAGCATTACGACAGAGGTATCGAAAGTGCCGAGGGT  
GGCGGCGGTGGCACCGTTCGAAGTATGTTACAACCTCAAAGAGCTTTCCGAGCACTCGATTGGGGGCAGGAGT  
ACCGACGATTGATTTGGTTTTGCAAAACAAGAAAGTGATTTGGAGCATATTCGGTGCGAACTCGATGGTACAG  
GTAAACGACGATGTATTGTGCTTGGGATTTGTAGACGGAGGGGTTGATGTGAGAACCGC

>trans\_c\_5875 DQ307078|*Stachyurus cordatulus* NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene,  
partial cds; chloroplast

ACCCCCAGAGTTTATAAAGGTCGACGTCTCACGCGCATTGTCACTATAAATAAGAACCATAATTCCAACAGTC  
GTGATTAATATTGCCATAATACAAGTAAGTGGATCGATCAAGTAGCCCAACTCTAAAGAAAAATCATTATTGA  
TAGTCCAAGACCATACATATTGATAGATATACTAGTATTTATTTGATCAATAGACAGATAAACTGCAAAAATC  
ATACTATACTTAACAATAAAATACTCGGAAAAGACCACATACGTGGAAGGTTTTTGGTTGCCGTCGGAAAAA  
GTAGAAGGCCCACTCCTATTAAGATAGGAATTGGAAGTGAGATGAACGGTATGATCCATGAATATTGATATGT  
ATATTCCATAAAAAAGTATATTAAATTCCTAATTAATTTTTCTGATTCACCAGCTCTTATCTCTTTCAAAGGAT  
CAGTTAATAACAAATTTAAATATCCAAAACGGAAATAGGGCCCCGCGGGGAGCCC

>trans\_c\_5876 XM\_002299543|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP76F3), mRNA

GACTCAAATTCTTGTAATTTATGGGCTTCATGTAGAGACCCAAATTTGTGGGAAAATCCAGACGAGTTCATA  
CCAGAAAGGTTCTTGAAAGTAAAGGAAAAAATTTTGAGTTTATTCCATTTGGTAATGGGAAGAGGACTTGTC  
CTGGTCAAGGAATGGTAATGAGGATGTTGCATTTGATTGTTGGTTCTTTGATTCATTTCTTTAATTGGAAGCTT  
GAAGATGGAGTCACGCCTGAGAATTTGAATATGGATGCAAAGTTTGGTCTTACTCTTGTCAAAGCTCAACCAG  
TACGAGCTATACCTCTTCTTATCTAGGATTTAATTTACATTTCAAACCTTTGTTATTCCCATTTCTCTTCATGTTT  
ATTTTAAGAAATAATTAGTTTATCTCGAACAACTTTTATCATTATTTAATCCAATAATTTGTAAGATTGTAACCTA  
ATCATGTGGTGAATTTGGTTTGCTTTGCTTTTTTTGAAATATCACTACCTT

>trans\_c\_5877 NM\_128345|Arabidopsis thaliana AXS1 (UDP-D-apiose/UDP-D-xylose synthase 1);  
NAD or NADH binding / UDP-glucuronate decarboxylase (AXS1) mRNA, complete cds

TGACAGTGACAAGAGAATTCCTGATATGACCATCATCAACAGGCAACTTGGTTGGAACCCGAAGACGTCCCTC  
TGGGACCTGCTGGAATCAACTCTGACCTATCAACATCGAACATACGCGGAGGCCATCAAGCAGGCAACAGCA  
AAACCAGCTGCATCCAGCTAGAGAATGTGATGCTCTTCTCGATTGGGTCATTTTTTTCTTCCTTCTTCTTTCTT  
CTCGGACTCTTTACAGGAGTTTTATTTGTAATATGTGGCTGTGTCCAAGCTTTTCTCCAATTCTTTCTGAGATT  
ATAACTAATATGTTGATGGATGAAGTCCCACATTAGTAACATTTTTTTTTCTCTTCTTGATTTTGAAATGTGTTA  
GTTGGATAGGTAATATGTGTAGCCCTGTTGGGGAAGAAGCTTTGTTATATGTAAAATGATTGAATATCAAGCTT  
GGACTACAAGTAAGGGAAGAATACAAGTAATCCACTACTTTTGTGTCTGTC

>trans\_c\_5878 XM\_002324035|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

ATATCAAACAAAGGTGTTTACTTTGTTGCAATTGCATTGAATATCTTGCTAAGACTTGCTTGGATGCAATCAGT  
ACTTGTTTTAGAGAAGCTCCATTTATTCATAGACAAGCCTTGATCGCCATTGTCGCCGTGTTGGAAATCATTC  
GACGAGGAATCTGGAATTTCTTCAGGATGGAGAACGAGCATCTAAACAATGTGGGGAAGTTTAGGGCATTCA  
ACTCTGTGCCTCTTCATTTGAATACAACAACAATTAGAGATGAAAAGTCAGTTTTGAGTTATGAATTACAAC  
AAAGAAGATACATAGTATTATATGAACAGTATTGATATGCATTTGTTATTATATTATATCATGTAGAGAGCAAC  
ATCAGATGAAGCCATAATATTACATCAAGTCAACTAATTGTCACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5879 AY101532|Arabidopsis thaliana AT4g12340/T4C9\_180 mRNA, complete cds

TTATACTGAGAGCTTCACGCTAGGGCTTGAGTTCCACATTCCAGCTTCCAATCTGCTGCAGACGGAGCCGT  
GCTTGTACCCGGTAGTCTGCCTTAGAGCAAAATGGGTGATTTTTCCATTCAGATTAGTTCAAACCTTGTTAATA  
TGTTAATTGATGATACTGATAAACCGAAAAGAAAACCGAGAAGAAACAGATCCAAGGTACCCCAAGAAAGTA  
AAAAGCCCCAAGTAAAGTTGATCAGAAAAATACATCTGATGATTCTGGAACGCTCAAAGGAAGCACAAGTG  
ATGGATGGCCACACCAACCTCCTCACTCTTCTTCTATAATTCTCCTGTGCATCCCGCCAATGCAGAGCTAG  
ACGCAATCCGATCCGTCCTGCAAGAGAGCGAAAGGGTTGTGGAGAAGTTACAGAAGCAGGAGGACAACATG  
CTGAAGGAAGTTACTCAAAGGGCGAAAGACCTCCATGACAAAGAGTTCAAGCTCCCTTA

>trans\_c\_5880 NM\_115589|Arabidopsis thaliana EIF3E (EUKARYOTIC TRANSLATION INITIATION FACTOR 3E); translation initiation factor (EIF3E) mRNA, complete cds

AATGTTCTTGCTGAGAAGTTGAACTTAAATTATGAGGAAGCTGAGAGGTGGATTGTCAATCTTGTTCCGGACCT  
CAAAGCTCGATGCAAAGATTGATTCCAAGACAGGAACAGTTGTAATGGAACCAATCCAGCCGAACGTATATG  
AAGAACTGATAGACCACACCAAATCACTATCCGGGCGCACTTACAAGTTAGTCACTCAACTTCTAGAGCATGC  
ACAGGCTCAGGCAACCAGATGAATTTTAGGTGTTGGGCCATTTTTTGTATATCTATATTTTATGAACCACTCAT  
CTCACAACAAAACAGCAGAGAATCAGAGCAAGATTCCATATTTGATTCCTTGTTTTAAGGAAAATGATATGT  
AACGCTCCATAGTTTTTGGTAATTTTAATTGAATGTAGAATTATGAATTGATTATGATGTTCTTCCAAACATGT  
CGAATTAATTTTAGGCTGTCCTTTCTTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5881 Novel Gene

ACACAAACAAAGTAATAGAATAAAAGTACATTCTGATCTAAACAGTGGCTGGCGGCGATGGAGAAATCAGC  
GGCAGCGGCGGCAGCGATTCTCTGTTTATTGTTACTTTCTGCGGAGGCGGTGGTGACGGTTTTCGGCAGATGCT  
GCGGACTGCATCGACGCCTGTTTCACTGCTTGTGTCCAGAAAGACACGAGGGTGATGCAGCGTTGTGAGGGG  
AAGTGTAGAATCAAGTGCAGTCCAGATAACAAAGTTGATGAAAATATTGCATTGGTGAGACAGAATAACAAA  
TGCGGGTAAGGTGTGAATGTTGTGAGAAATCTCACTTTGTTTCTTATGTTGTAATAAAGAAAGTAATCTCGAG  
GGAAAATAGTTTATGTATGTTGTAACAAGTGCTTCTTTGTTCTTCTAGATGTTTGTGAAAGCTATATGTAAAG  
CATTTTCTAAATAAGTGCTTCTTTGTGTGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5882 NM\_116131|Arabidopsis thaliana GATL7 (Galacturonosyltransferase-like 7);  
polygalacturonate 4-alpha-galacturonosyltransferase/ transferase, transferring glyco> (GATL7)  
mRNA, complete cds

AAACATATCTTCTTCTCGTCGTCGTCGTCCTTCTTCTTCTTCTTCCACTTCTTTTTTTTTTGCCTTTTTATCCT  
CTCTCTGCTTGCTTTGTTCCACGGCATACTTTTTCGCTCTGATACGCTCTCCTAGGGAGGAAAAAGATCGATT  
CATTTGTTTTAGGGCTTAATATTTGTTGTTGTGTTTTACTTTCTCCATGTATTGATTTCTCGAGAGTTCTGGAG  
GACTTTAAAGGAACCCTAGCGTTCCTTGAACGTGTTTTTCTCCATTTTGGTTGATCGATTTGGTTTCAAGTGG  
AAGAGGAAGAAGAAAAAGAGAAAAGGGGGTTATAGTGTGAATATGATTTGGTTGATGAAATTATCGGGGCT  
TTTTCCGCCGAATGGTGATGATTGTGCTTGCTCCGGCTTACAATCATTTCTCCCGCCGAAGCTATTCGGTC  
CTCTCATCTTGATTTTACCTTCGTTTGCCTGTTGATACTGCCT

>trans\_c\_5883 FJ231526|Melaleuca quinquenervia chlorophyll a apoprotein A1 (psaA) mRNA,  
partial cds

TAACAGTGGGAATCACCATTTAGCGGGTCTCCTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGCCATCAAGTCCAC  
GTATCTTTACCGATTAACCAATTTCTAAATGCTGGAGTAGATCCTAAAGAGATTCCAATTCCTCATGAATTTATC  
TTGAATCGGGATCTTTTGGCGCAACTTTATCCTAGTTTTGCTGAGGGAGCAACCCATTTTCACTTTGAATTG  
GTCAAAATATGCGGAATTTCTTACTTTTTCGCGGAGGGTTAGATCCAGTAACCGGGGGTCTATGGTTAACCGAT  
ATTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCCTTTCTGATAGCGGGTCACATGTATAGGACCAACTGGGGCAT  
TGGTCATGGTATAAAAGATATAAATCTCCGAGTTAAAGGTCCATTTACAGGCCAGGGCCATAAAGGACTATAT  
GAGATCCTAACACGTCATGGCATGCTCACGGCGAGCGGCCAAGCTAGCGAC

>trans\_c\_5884 GU393311|Vitis pseudoreticulata ERF transcription factor 3 mRNA, complete cds

GAAGTACTTCCAGATGCCATATCTCGATGGCAGCTGGGATGCATCAATGGATGCCTTCTTGCAGGAGAGACA  
GGGAACCAGGACGGTGGAACTCAGTCGACCTTTGGACCTTTGACGATCTTGCAGGAATGGTTGGCAGTGTC



TTCTAAGCAAATCTTTCCAGCTTGCTAGGTTATGTAAATAAAAGCTACATATTAGAACATTTGTGATCTGTTAT  
GGGAATGGACGTGAGAGAGATCTGCCTGCATAAGCAAAAATGGCCTAACAAACATAGCTATTGGTGTGTATG  
TTGAATGTGAGGACACTCTTAGTAGTACTTACTTGGTAGGCTTCATTTTCATGTTTCTGAGTCCATAATATGGAG  
AACTCAAACTAATATATATGCTTGTACTGATAAAACTACTTGTGGTTTGTGTTGTGCTGTGTATGTTGAAACT  
TAATGAATCTCATTCTTAGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5885 Novel Gene

TTTTTTTTTTCAGAAATGTGGAAGCTGAGAGAGAGTTGAGTTGATTCAAGATGTGGGATTTGAGAGAGAGAG  
GAGGAGCATGAGGGAAAATGATGGAGAAGGGAATATGAATTATATTTAGTTCTCTTCATGGGTTTGAAA  
ATTCAATGTCTCCATTCCATTAGTTGAAAACTTGTAAATGGTGGTGGAAAGCAATGGAAGAAAGGATGGATTG  
TGATGGAAAGGCAAGAGAGACAAAAGAATGTTTGTGGAGAGGTATTTCTAGCATTTATGGCCAAAATTATGG  
TCATAATGCCACACCTCCACAATAGGATTCTAAATTGAAAAAGTGAAAAAAGAAAGGAGACAAGTTTTGT  
ACAACCTTGATTGCAACCTCTCTAGTCTTTTACCATGTAAAGTCTTCAAACTAACATTCAAAAAATTGAGCTTCT  
CATTCTCTATCCAATATTTGATTAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5886 EF595934|Cucumis melo isolate 2007-B27 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence;  
chloroplast

AATTCAAAACCGAACGTGAACTTTGGTTTCATTGGGCTCCTTTATGGAAGATGGATAAATTCCTAAATTTATA  
GAGCACCCCCAAAAAAAATACCATCCATAACATCTATGTCAGCCTTTCCGTCTGAATGCATTCAAAAGGACCC  
GCTTTATAGATGATCCCTATACAAGAGGAGATTATAACAATCTTCCAGTTATTTATTTTCGTTCCCCGCCCTAT  
TTAATATAATCCTTAGGAAAAGTATTTTGTTCGCCGAGCTAAAAAACGATGTCGACGTCTCTAGTAAACCA  
AAGACATTGTTTTTATCTCGCCCCACCCATCCTGGCTCTTCCGCGTGGGAAAAAATTGAAGATTTAGTTAC  
GATTAGAAAAAATTCACCTTTATCCATGGATCCCTTATCCGTCTCGTTCGTTAACGGAATTAACCAGACAAAT  
CGCTCCACCAACTAAGAACGGCCATGCACCACCACCCATAGAATCAAG

>trans\_c\_5887 Novel Gene

CCCTAAAAAATATTAACCTAACCTCCCCAACTTCCTATGTAATTTGAGGAGTGAATACAGAATATGTCAGTTTT  
ATACATTCCAATATGGCACCAACATGCGCTCAAACCAAAACAAAAAAGAAGGCGAGCGCTTTTAAGAC  
AAGGAAGCTACACATAAGGGAGGCAACCCTTAGAGAAAAATGTCACCATCAATCCCAAGCAAAGTTTCATAG  
ATTCACACAGCTTAGGGAGAAGAAAACCCCTTCTGCTCATAACAAACCAAGCTCGCAGCATGAAGCTCTCAAG  
CCTAAAATAGGCGAGTACTTTTAGCAAGGAGTTGCGGAAGAAGCAACCATTGAAAACCGGGTCATCATCAAC  
AACAAAAAACAATTGATTGACAAATCAAAAACCTACATAGAACTCAGACATCCAAGGATTAGGGAGCC  
TAGGGAGAAGAGAGCCCCTTCGCTCAAAACAAACCTGAGAAAATTGACGAAAATTCA

>trans\_c\_5888 AJ871580|Glycine max mRNA for beta-amylase (bmy1 gene)

GGAAGCAAAGAGAAATATGTAGCTTGAGACCTGCATTTTGGACCATCTCCGCAAGGGTGAGATAGCCCGACC  
ATTCATATTCCCCATGGTTCTTTCTCAACGATCCCCACCACACCGGGAGCTCGACACCTTCTACACCAAGCAG  
CTTCAAAGCTTAAGGGCCAGCTGCAATTGCTCTCGAATGGTTAATTGCATGGCAGGTAGAACTGCATCTAAA  
GGCAAACCAACGTACAACCTCACCCCTCAAGAGATTTGGATCTTCTTCCAACGTTTGAGTTTTGAGATTGAGC  
TGTTTCATCTGCACGGATTTTCGTCGTTAAACGGATTCTTGACCTTTCACACCTCGAACTCCTCACGAAACAGA  
TCTTCGACTTCGAACCAAAAATCTTACTATCTACTTTGGAATTGAAAAACCTAACTCTCTGTTACCAAAATCGG  
CTCCAGCGACCTTCGCCTGAGATTTCCGATAACTGAAACCTCCATAATT

>trans\_c\_5889 GQ998503|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 16S ribosomal RNA (rrn16) gene, complete sequence; chloroplast

AGGCGCAACGAGCGCAACCCTCGTGAAATCAACGGTTGGCAACTCACCAAAACCCTGAGCAGACTGCCGGTG  
ATAAGCCGGAGGAAGGTGAGGATGACGTCAAGTCATCATGCCCCCTATGCCCTGGGCGACACACGTGCTACA  
ATGGCCGGGACAAAGGGTCGTGATCCCGCGAGGGTGAGCTAACTCCAAAACCCGTCCTCAGTTCGGATCAC  
GAGCTGCAACTCGCCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTCGTTT  
CCGGGCCTTGACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTTACCTTAACCGCAAGG  
AGGGGGATGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAGTCGTAACAAGGTAGCCGTACTGGAAGGTGCG  
GCTGGATCACCTCCTCGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGTCCAGAACACACA

>trans\_c\_5890 AY345228|Panax ginseng glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase mRNA, complete cds

TGCCATCAAGGAGGAGTCTGAGGGGAACTTGAAAGGAATTTTGGGTACACCGAAGATGAGGTGGTGTCCAC  
TGATTTTTTGGGTGATAACAGGTCAAGTATTTTCGATGCCAAGGCCGGGATTGCGCTGAACAAAACTACGTG  
AAGCTCATCTCGTGGTACGACAACGAGTTAGGCTACAGTACTCGTGTTATTGATTGTTTCACATCGCTTC  
TGTCCAGTAAGATGAGGATGAGATGGCCTTCCATATCCTATATTAGCGGTTTTATTTTCAGCAGTTTGTCTGA  
GGCTCTATCGATGAGTGAGTTGAGAAAATAAAAAACAGAGTTTTCAAAAAGCTCTTTTTACTCTTTTGAATTC  
CCATTTTGTATGAAAAGCTCTGTTGCTTTTCCAACGTGACTCTTCAATTTTCACTGCATCTTCTGTTTTGTACTG  
TTCTTCCTCAATGAAGAAGGTATCTATGCCATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5891 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

AATTGCCCCATGAAGACTCGCTTTCGCTACGGCTCCGGTGGGTTCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCTC  
TTAGTTGTTGAGAGGGTTGCCAAAAGCAGTATATAAGGCATACCCAGTAAACTTACAAGTAAACCAGATAT  
AAAGATGGCAACTAGGGTTGCTGTTTCCATTATTATATAATTTCAAGACCACAATGGATCTATAATAAGATCAT  
TTATTTACAACGGAATGGTATACAAAACGTAATTCCCACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTA  
AATACGCGACAGGGTATTTGTTTGCTGTTTTTCCAATTATGAAGCATGGCTAGGTGATCCTACTCACATTAGC  
CCTAGTGCCAGGTGTGGGTGCCAATAGTGGGCCAAGAAATATTGAATGGTGATGTAGGCGGGGGGTTTCG  
AGGAATACAAATAACCTCTGGGTTTTTTCAGATGTTTATCTAATCTGGAAACT

>trans\_c\_5892 BT025782|Arabidopsis thaliana At1g51100 mRNA, complete cds

TCTTCCATGGCTTCCTCACACCTCCAGTTTTCTCTCTACTCCAAATCCCATTCTTCTCTCCCCAATCTCATCCCT  
CTTTCACAACCCATTACAAATTACATCAAAACGAGACCTCTCAATCAAATACAACCTACAAGATTCCGAATCC  
GACCCCAATTTCCCATCCCAGATCCCAACTTCAGCGCTCTTAACCAACCATAAACCTTCCAAAAAAGAAACG  
AACAAGATCCAAAATACTCCGGCAAAAAAAACCCACAACATAAATCACAAAACCGGACCCACCCAACTTCGAA  
ATCGGATGGAAAAGAACGAAAGAGATCAATCTTGAGAAGCCGATCGGGTGGATGATAATGGATTTTCTGGAA  
AAGATAGAAAGATTAATGGAGAGGAAATTTGGGTCAACAGAGTTGCTATCGAAAGTGGGATAGATTGTGGC  
GGAAAGGGAGAGAGAGGAGGCGGAGATTTTGCTAGACAACGGCAAAGTGGA

>trans\_c\_5893 AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

TGGCTTAATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCACAATCAACCATTTAAGTATTTTGTATGATATTGTTGCC  
CTAGCCATCACATTTTCATTTTCGTTCTCACTCTTTTATATTAATTTTTTGAACCTGGCGCCGCGTCCGAGTTTGA  
CTGAGGTTGAATCCATTTTGATTCTTTCTAACTTATTCTAAGTCTAAAAACTCTAAAAAAGAAGGGGGAAGG  
GGATTAGTCAAAGATATTTGATTGTTTTTCTTATCTTCTCACCTCTTCTCAAGTCAATAACTAGAATGAAAAA

ACGGGAATACCAACGCATCCGGGAATAAACGATTGATCTCGATTAATAGACCCGCTAAAGCCCCGAACCATAT  
AGTACTTACTACCGGTGCCACGGAGAGATATGTTTTTAGATCTCGCATTGAAAACCTCCTACTTTATAGTAAT  
TTGTAATACATACTGGTAGCATCCTTGAACCGATAACCATCTTTT

>trans\_c\_5894 HM596916|Cucumis melo subsp. agrestis internal transcribed spacer 1, partial  
sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial  
sequence

ATTTAAGCCATCCGCACGACGGTGCGTACGGGAGGCCAGTGTGTGTCCCTGCCTTCACAACGACCCCGCATGG  
GGAGAGTTGTGTGGTGGGGGCAGCGATGCGTGACGCCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGG  
CGCAACTTGCGTTCAAAGACTCGGTGGTTCGCGGGATCCTGCAATTCACACCAAGTGTTGACAGATGATCCAG  
GAGTTCGGTTCATGGGAACCTTTTATCTTCGGATTTGAAAAGAATTAGCAAACCCCATTTGGCGGTAACGTT  
TGAAGCATGATATGAAATGAGTTCCTAAAACAAGAAAAATCCTATTTGAAAATAACTAAAATACTAATAAT  
AATAAATAAAGAAGTGGAAGCACGTAATATGTGGGTGGCTACCCCGAGGTACTATCTTATTATGAGGTAGT  
ATATTATACAGCGTGACGAGAATGTTTACAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATC

>trans\_c\_5895 NM\_118041|Arabidopsis thaliana ATRLI2; transporter (ATRLI2) mRNA, complete cds

TTGTGAATCTTTCTGGAGGAGAGTTACAGAGAGTCGCTTTGTGCCTCTGCCTTGAAAGCCTGCAGATATCTA  
TCTGATAGATGAACCAAGTGCTTACCTTGATTCTGAACAGCGTATTGTTGCTTCAAAGTCATCAAGAGATTTA  
TTCTTCACGCAAAAAAGACTGCCTTTGTGGTGAACATGATTTTATTATGGCAACTTATCTCGCAGATCGTGTT  
ATTGTTTACGAGGGTCAGCCATCAGTTGATTGTACTGCTAATTGCTCTAGTCGCTGTTGACTGGAATGAATCT  
CTTCTTATCTCATCTTGATATTACATTTAGAAGAGATCCAACAAATTACAGGCCACGAATTAACAAGGTCGACT  
CAGCGAAGGATCGTGAACAAAAGTCAGCTGGCTCATACTATTACTTGGACGATTAAGAATTTTGCGGGTGCA  
GAGGCTGGTTTTTTAACTAATAAAGAGCAGAGCACGGGCGAAGCTGAATC

>trans\_c\_5896 XM\_002318603|Populus trichocarpa nucleobase ascorbate transporter, mRNA

AGCTACTCCAACCAAGTGTGTATATGCAGTTTTTTCTTTTTCTTTTTCTTTTTGTATCGTATCATTCTATCTTTC  
ATACCTCCTTCTTCACTCCATACCTATCTCTTAAGTTTTGGCTGGGTGCTGTTTCAGAATACTCTCTGCTTTGGGT  
TTTTTCCCCCTTTCTTTGTCACTTTTTTCAGTGAAACACTTTAAGCTGCGCTGTTAATGGTGTATTGACTTTAAA  
GCTTTTTTCCACTTGATTTTGCTTCTGAAAGTTTGTTAAAAGTTGTGGAATTTTTTTGTTTCTTGGGCAGAG  
GAAAAAGGGTTGTTTCAAAGCAGAGAAAGCTGTGGAGTGAGTCATGGCGGGAGGTGCAGCACCGAAAGTAG  
AGGAGCCTCAAGCTCATCCACCGAAAGATCAGCTACCCAACGTTTATTACTGCATTACTAGTCCACCTCCATGG  
CCTGAAGCTATACTTCTTGGTTTCCAACATTATCTGGTGATT

>trans\_c\_5897 AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

AACAGAAAGAGAAAGATTCTCAAAAAGAGTTGCAACGAGAGGATTCACTTAAGCGGTCTCTCAAGATCTGG  
AAGCGAAGGGCAAAGAAATTCTTGCTCTAGAAACACAAATCAAGGACCTCCAGCAGAAATTGCTCCTGGCTG  
AGGCTAAGCCTATAGAAAAGGCTGACGGAGGCAGCTCGACGGAGTCGAAGGACGGAGTAGAAATCAAATCT  
CGAGACATTGGATTAACTTTTCACTCCAGCAAAAAGGAAACACAAGAAGAACAGAGAGGCATCATCAGCA  
TCAACACCGTCTCCATCTCCATCTGGATCTGGTGCCGAAACACATACTCAGATTGATGAGGTTTCTTCAGACTC  
CTCTTTGAAGGTAGTTATGGGAGTAGCTCACGTATCCCTTATACTTGGTATATATCTGGGGAAAAGGAAGTGA  
ACATTTGAGGTATTCGAGTGTTTTTTTCTTTTTTATTTTCCACCGTCCCCCCTT

>trans\_c\_5898 NM\_117537|Arabidopsis thaliana acylaminoacyl-peptidase-related (AT4G14570)  
mRNA, complete cds

AATGTTATGGAAAAGAGGGCAAGAATCACTACACCGAAGCACCATCTGCTGAGCACCTAACCCACTTATACAA  
CAAATCTCCCATTCTACATGTCTCAAAAGTTAAAACACCTACCATTTTTCTTTAGGTGCTAAAGATCTTCGTGTT  
CCATTTTCAAATGGGTTGCAATATGCGCGAGCGTTGAGGGAGAAAGGAGTTGAGGTCAAAGTCATCATGTTT  
CCGGACGATGTTTCATCCAATTGACAGGCCACAATCGGATTTGAAAGCTTCCTCAACATTGGTGTGTGGTTCA  
GAAAGTACTGCAAGTGAGTGACATTCTTTCTCACCCATTTAGCATCATTGATATCATGCTTTGTAATTATATT  
GCCACTTTGATCTTGGTACAAGTGATTCTATATACTCTTGTCCATGGTATTAAGCCACTCATTCTCAATAAAATG  
ATGCTTATTATTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5899 NM\_105665|Arabidopsis thaliana PP2A (SERINE/THREONINE PROTEIN  
PHOSPHATASE 2A); protein serine/threonine phosphatase (PP2A) mRNA, complete cds

TTACTACTCGGTCGAGACAGTTACTCTTCTAGTGGCTCTAAAAGTTCGTTACAGAGACAGAATTACCATCTTGA  
GGGGTAATCACGAGAGCCGACAAATAACTCAAGTGTATGGATTTTATGATGAATGCCTGAGAAAATATGGAA  
ATGCAAATGTCTGGAAACACTTCACCGATCTTTTCGATTACCTCCCTCTTACAGCTCTAGTTGAGAGTCAGGTTT  
TCTGTTTACATGGAGGACTTTCTCCATCTTTGGATACCTTGGATAACATTGCTCATTGGACCGTATACAAGAG  
GTCCCCCATGAGGGGCCGATGTGTGACCTCTTATGGTCTGATCCAGACGACCGGTGTGGATGGGGAATATCT  
CCACGTGGGGCTGGGTATACGTTTGGTCAGGATATAGCTACTCAGTTCAATCATACAAATGGGCTCTCTCTTAT  
ATCCAGAGCTCATNCACTTGTCTATGGGAGGATACAACCTGGTGTGTCAGGA

>trans\_c\_5900 DQ226617|Boechera divaricarpa isolate SLW-3-H06 mRNA sequence

TGACCGGAAAGACCATCACCTTGAGGTTGAGTCGCTGACACCATTGACAACGTGAAGGCCAAGATCCAGG  
ACAAAGAAGGCATTCCCCCAGACCAACAGCGTCTTATCTTCGCTGGAAAGCAACTCGAGGATGGCCGCACTTT  
GGCCGACTACAACATCCAGAAGGAGTCTACCCTCCACTTGGTCCTCCGTCTTCGTGGTGGTATGCAAATTTTCG  
TTAAGACCCTGACGGGTAAACCATCACCTCGAGGTGCAATCCTCTGATACCATCGATAATGTCAAGGCAAA  
GATCCAGGACAAGGAAGGAATCCCCCGGACCAGCAGCGTTTGATTTTCGCCGAAAGCAGCTCGAGGACG  
GCCGAACTCTAGCCGACTACAACATTGAGAAGGAATCGACCCTCCACCTTGTGCTTCGTCTCAGAGGAGGCGC  
CAAGAAGCGTAAGAAGAAGACCTACACCAAGCCCAAGAAGATCAAGCACAAG

>trans\_c\_5901 Novel Gene

TCCAACGTAAGTGAGTGTTCTATCTATCTCGTCTCGGGGCCGAGGGCAGCCCCCTCTTCCCCTCACTCTCCTTT  
CCCGCTCCGTGGGATTCACCTTGAGTCATCAAAGCCTTTCTGACTCGGCCTGGTCCAACATTTTCGTATAGTCA  
ATGCGGCAGAAAGGCGAAACTCTCGTCTCCGTTTGGCGACCGCTACGTGGGGGGCGGACACCTTTTTTTGTTA  
TCTAAAGGCTTTGACTCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGGCTCCGGCTCCGCGCACC  
TGCTGACACCTTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTCGTTTTGCAATGTCTCGTTCAGCCTCACGAGTCTACA  
AGCCTTTCTCATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGGTCCCGAGAGAGCGTACCGCCATAGTCGTGATGATAC  
TTTCCCCAAATGATCGACGCTGATTACACTATGCTGGTGTGTTTTA

>trans\_c\_5902 GQ203103|Cucumis sativus lycopene beta-cyclase gene, partial cds

GTTTCCAACAGAAGAACTCCCTCTGTCTCCTCTTTCAATGGGCCATAGATCTTTCCAAACTTCAGAGGATATCG  
CATCACCCCTGAAACGTCCATCTGAACCAAGGCATCGAACTATTGCACTAGCAACAATAGGTGCCGCGGCTAG  
AGTTCTTGCTACCATATATCCAGTTGAAGGGTGCACCATCCCTGCTGTTCCACCAATTCACAACACTCTTGAG  
GAAGAACTGGCAGCGGTCCACCCATTGGGATGACACAATGCTCATCCTCTTCAATGCTTTTCACTTTTATTCCC  
AAGTGCTTCAATCTTGCTCCATTCTTTCTGGATATCGCTCATTTGTAATCCCGGTGCGAGCTACCAGAGAAGTT  
TCTTCTAGAAATATCCGATTTGATGAAAAGGGCATTGCATAAAGAAATGTAGGAATTTTGCTATTTGCTCCTT  
CAAAATCATATTATTGTTTCAGATGTGAATCCCTCCAATCCA

>trans\_c\_5903 FJ362595|Vernicia fordii 60S ribosomal protein L39 (RPL39C) mRNA, complete cds

AACGGCCACTTCTTCACTTTGCTCTCTCAGGTAATTTGTTGCTGACTTGCTGTCGTTGGCCAATTCCTGAATTTT  
GAAGATGCCGTCTCACAAGACTTTTCAAGATCAAGAAGAAGTTGGCCAAGAAGATGAGACAAAACAGGCCTAT  
TCCTCACTGGATTTCGGTTGAGGACTGACAACACCATCAGGTATAATGCTAAGAGAAGGCACTGGCGCCGCAC  
CAAGCTTGGATTTTAAGGTGTTTATCGTGTGGTTCGCTCTTCGTCCTGTTTTGAACCTATTTAAGTTATATGTTG  
GTTGTGGAGAAGACAAAGGATAGCGAGCTAGATATTTGAATTTTTTCTCTTAGTTTAAGAACTTATTGAAGA  
GAAACTTACGGGAATTTTATAGATCTACTTCTGTTCAATTTATATCTGGAGTAATTTTGCATTCTTAAGTTAATAT  
TGGTTTTGGGGCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5904 EF207449|Liquidambar styraciflua inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GTAGCCAACATAAGAGCGGATAACTGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCCACCCAAGATGAGTGCTCTCCT  
ATCTCGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCTGCGGGGATGGA  
GCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCA  
GTGGAAGTGGAGTGATGTAACGAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACCTTGTTCTACATGA  
CCCGATCAATTTCGATTAGGCACTCGCCATCTATTTTCATTGTTCAACTCTTTGACAACACGAAAAAACCTTGTT  
CAACTCTTTGACAACATGAAAAAACCAAAAAAGCTCTGCCCTCCCTCTCTATCTATCCAAGGGATGGAAGGG  
CAGAGGCCTTTGGTGTCCCCTCCAGTCAAGTCGGTTTTAAAGTGTGCTG

>trans\_c\_5905 NM\_116520|Arabidopsis thaliana catalytic (AT4G02860) mRNA, complete cds

TAGTGCACATTGTGCCTTGGCAGTCTACTGGGCTCAAAGTTGGGCAAATCTGATTTTGTGCTTTCATGGCAT  
CACCTAGAAGTGGAATATTGCACATTCATATGGATGAACAAGAACAAGAGTACTCTTGCGAGGGAAAGCTA  
TACTATGATGGAAGGTGTTGTTTTGGTTAAAAAAAATTTTCATGTTTCAACCATTGCTAAATCTTCTATTTCG  
CGTGAGAACTTTGAGTAAGTGTTACTCATCAAGTTGTAATTATCATGTACTGTTTTACTTTGTTTTACTTTATTCA  
GCCATTGGATTTGTATTTGGAATTTGGAGATATATATTGTAATCTTTAGTAAACAGTGAAAGACAATTATTTTA  
TTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTGTGTAACAAAACAGTTATGTGAATAAGAGATCCAACCTCCCATCCAAA  
GGAGAACTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5906 X69640|G.max ADR11 mRNA

CCTTAAAAACAACTTCCTATTGCTCTTCAGCTCCTTATCACTTGCGGGAAAACCCCTCCTCCTGGCTACACTTG  
CTCCCTTTAGACAACAACAATAAGAAAAACAACAACAACAAAAGGGTTGATTGATGTGGTATGGAAATG  
GAGTCGACATGAGAGGATGTCGAGTCAAATCTTGTCTCTTTTTATTTTCGATTATTTTATTTTATTGTAT  
GGAATTATGGCTGATGTTGTAAACATTTATTTTAAAAATTGTGATAGTTATTGTTGTTTTATGTTGTGTTGTGG  
ATTATTAGGCAAGAAAAGCAAAATCTCAGTTGCCTTGTGTTTCCTTATTTATATGTCTCTCTCCTTACCTTACT  
CATTTTTATCTTTACCAATAATTAAGATCTTATAATTTCAATTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5907 AM489938|Myrcia pubipetala plastid external transcribed spacer, ETS, specimen  
voucher Lucas 86 (K)

CACTCACCCTATACCCATCAAACCCACAACAGGCTCGTTGCTCGGGCATCGAACTGTCAACGTCGGCTCCACC  
TCATTGACGTGCCCCGAACAAAGCTTGAGTTCGAGCGGTCACAATCGATCGGTTCTTGCATCGGTACCTCACTC  
GATGGAAGCGTCGCGTCCCCTTGGCCCCTAACACTCGACACCCATCTTTGGGTGGACAACGAACCCGATAGCC  
CGCATCGCGTTCCGCTTGACATCTTCGTTGTTCATTGCGGGCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCA  
GTGCATTGCGTGGCATGATAAGTCCCTCGAAACGTGTTGCCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTC

CCCGTATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGCATGCATGCGGGCTGTGACGTCGTGTAGGAATGCTACCTGGT  
TGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCA

>trans\_c\_5908 AM156923|*Plantago major* partial mRNA for vascular protein 8 (vp8 gene)

GAGATACAAAGGGTAGGGTGGTGGCCATTTTTAGCGATTTTGTGGAGATCACAAACATCAAACCACGATTTG  
GCGGAGAAAGATCAGAAGGAGCAAACCTAAAGATGATCCACCGAAAATGGAGTCTTCTCACCGTCCCTCCGGC  
TATACTGGGCGGTATTGTTGTCTCTCTAGCCGTCGCTAACTTCATCTTCGTTAAAGAAGATCCATTTCTGAAACC  
AAAGGAAAGGAATGTGGAAGCATCTCAAAAATGAAAGGATATATTTCAATGAAGGTTCTATTTTAAGTCTAG  
AAGCGTCCCTTTGGATTGGTGTCTTCTTATTATGTTATTTTGTCTTCTCATGTGAATTTGTTATTAGCTCCATGG  
TTCTGTCACGTTTTAGTTCTGACTAGTGATTTCTGCTTGAATAACCAAATGAGAAATGTTTCGGGGACAATCCA  
AGGGTTTTTCTTGACCATATAATAAGATATTTTACAAGTAACG

>trans\_c\_5909 NM\_001160781|*Arabidopsis thaliana* protein binding (AT4G19045) mRNA, complete  
cds

CAAAAAGGAGCTGGCTCCACTTCAAGAGCTGATCGAATCCATTATTGTTCCATACTGAACAGGTTTTGGCATA  
ACTGGACAAAAAAGAGAAAAAAAGGAGATCCTATTCTATTCTAGGAACACAACCTAATTAATAATCAATTGG  
TTTCTGAATTTTAATGTAATATTTATATGTTGTCTTTGTTCTGTGTACATGGTTCTGTGTTTGGATATTTCTAA  
GGTTGTGGAACTGCTCCCTACTCTTCCCATGAACCAAGCTGATTTAAAGAAAACCAGCTTCTTGATTCAAAAAG  
GAATGAAGTTGGAAGGCTTGTAGTTTCATGTTTCTCTCATCTTTCTTATATGAGGTTGCATTTTCAGATGGCA  
GAAGTTTCAATTTAGGTAACTATTTGGGTTTGTCAAAAAGGAGAGACAAAAAAGTTGCCTTTCCTTCCATCTT  
TAGTGTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5910 AB240139|*Nicotiana tomentosiformis* chloroplast DNA, complete sequence

ATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAGAGGGGGAAATACTAAAGAAAAGGTTAGTCAAAGCTATATACAAG  
TTAAGTTATCACACCCTCGTTTTTTTATTTCAATTAATAAAAATGGAATTCGGTTATTGATTAAGGTGAAGTTCC  
GTAAAAACACCTGCCTTCTTTAAATATCATGAACAGTTCCTGTAGGTTGAGCACCTTTTCAAGGAAATATAG  
AATAGCAGGAACATTTAAATAGGTTTGATTCTTTATCGGATCATAAAAACCCACTTTACGAAGATCTCTTCCTC  
TCTTCGGCATCGAACATCAATTGCAATGATTCGATAAACGGCTCGTTGCTTTCTACCACATCGTTTTAAACGAA  
GTTTTACCATAACCTCTAATGGAGGTTCCAGTTGCCTTTTTAAAAAAGCCAATCCCAGGGAACAGTGAAGCTTC  
ATAGGGTCTTTCTGTCCAGGTGCAGGTAGTCCGCATCTTC

>trans\_c\_5911 AM087200|*Solanum lycopersicum* complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GGAGAAAATGGATATTACTTCATTTGCAAGGGCAAGAATGTCTGTGGATCCGAGTCGATGGTCTCCTCCGTGG  
CTGCGGCTGCCACCCCAAATTGAGCCATCGCCTAGTGCCGTTCTATTAAGGTAACCTTTGTAATTATATGTTTAT  
ATCTTATATGGGGAATGGTTTATTATTACACCAATTGCTATATATGGAATTGTTTCTTCTAATTGGCTGATAG  
TTATTGTTGTATAATTTGTATGTTGAAATAATATTATATAGGACCTTTGGGTACTAGAAATGCATGCAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATAATAAGCTCCATAAAAAACCCTAAATG  
GCCCCGATCCACAAGGGCGGGCCTGGAAAAACCTTGCCCTATACC

>trans\_c\_5912 Novel Gene

TGGTTCTCCCCGAAATGCGTTGAGGCGCAGCAGTTGACTGGACATCAATATTCTATTATGTTCTATCAACACAC  
AAAAAGGGTTATACGATATATCTGGTGTGGAAGTCGGCCAACACTTGCGCCATACCCGCTTCGGTTTCCAAGT

CCATGCCCCAAGTACTTATTACTTCTTGGGTTGTAATTGCTATCTTATTAGGTTTCAGCCATTATAGCTGTTTCGTAA  
TCCACAAACCATTCTACTGACGGTCAGAATTTCTTGAATATGTCCTTGAATTCATTGAGACGTGAGCAAAA  
CTCAGATTGGCGAAGAATATGGTCCATGGGTTCCCTTTATTGGAATATGTTTCTATTTATTTTGTTCGAATT  
GGTCAGGAGCTCTTTTACCTTGAAAATCATACAGTTACCTCACGGAGAGTTAGCCGCACCCACAAATGATAT  
AAATACCATAACCGCATCAGGTCTCCAAGGTGAACAGCC

>trans\_c\_5913 AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

TTCAGATTCAACAATTTGCTCTTTTGATTCTTGTGATCGAGTTCAAGAACTTCAAACCTCTTTTCACTTCTCTCA  
AGCTTCTGCTTTGTGAGTGATACCTCATTCTGCAGCCTTGAATTATCTGACTCTAAATCTTTCAAACCTCCAGCT  
AATCTCTCAATTTCAAGCTCAAGATCTCTTGACTTCTCTTGGGCCTCCAATAATTCTCTGCTTGAATTGCTTGAA  
GTTCTTTCAACAATAGTTGGTTTATCTTCTCTGAGGATGATGTTTTGGCTGGATGAGTATCCTTCGCGTCCAG  
AGGCTCCTTTTCTACTTTTATGAACTCCCCGTCCAGAGCATTGTCCTCCTCATCGTTCTTAATTTCTTTTCTACTT  
GAGTAACCCCATTCGTTATCTTATCGCCATTGGCATCATTTCCAGTATCCTCAACTACCTTTGTAACAGGGACTT  
CCGAATTCTGAGGTTGACTTCCATGATTAA

>trans\_c\_5914 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

GAATGTCAAAGTGAAGAAATTCACCAAGCGCGGGTAAACGGCGGGAGTAACTATGACTCTCTTAAGGTAGC  
CAAATGCCTCACTGCTATGCATCACACGCGCATGAATGGATTAACGAGATTCCCACTGTCCCTGTCTACTATCC  
AGCGAAACCACAGCCAAGGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAGTTGGGGGACA  
TGTATGGTTAGGTTCCATTTGTATACTTGGTGGAATTTGGCATATCTTAACTAAACCCTTTCATGGGCTCGCC  
GCGCACTTGTATGGTCTGGAGAAGCTTACTTGTCTTATAGTTTAGGTGCTTTATCTGTTTTTGGTTTTATTGCTT  
GTTGTTTTGTCTGGTTCAATAATACTGCTTATCCGAGTGAGTTTTACGGGCCGACTGGACCAGAAGCTTCTCAA  
GCTCAAGCATTTACTTTTCTAGTTAGAGACCAACGTCTTGGA

>trans\_c\_5915 D55646|Cucurbita pepo mRNA for catalase (cat2), complete cds

GGGAGATTGGTGTGAATAAGAATATTGATAATTTCTTTCGGGAGAATGAGATGTTGGCTTTCTCCATGTCGT  
TGGTGCCGGGGATACATTATTCGGATGATAAGATGTTGCAAGCAAGGAGCTTTGCGTATGCGGATACACAGA  
GGCATAGACTTGGTCTAACTATCTTCAGTTGCCGTGTTAATGCTCCTAAGTGTCTCACCATAATAATCATCATG  
AGGGGTTTATGAACTTTATGCATAGAGATGAGGAGGTGAATTACTTTCTTCGAGATATGATCCTTGTCGTCAT  
GCTGAGAAGTTCCCGATGCCGCCAATGTGCTCAGCGGAAAAAGAGAAAGGTGTGTGATTCCGAAAGAGAAT  
CATAACTTCAAGCAAGCTGGAGATAGATACCGATCATGGGCACCAGACAGACAAGAACGATTTCGTGAGGCGT  
GGGTGTGCCGAAGCGTTATATTCAAAAATGTGACACACATCCTG

>trans\_c\_5916 Z34269|H.vulgare (pMaW25) mRNA for beta-ketoacyl-ACP synthase

GAATCAGGAAGGTTTGAGTTATCGACAAGAAATTCAAAAGAAAACCTAAAGTTTCTAAGTTTAATTTACTTCAA  
AAGAAAAATGGCAAACGTGCCCTGTGGCTCAGCCTGCAACTGCACTCCCAACAACGTCTCATGCAACCATAAT  
GTTGCTTCCATGAAAGAGAACTTCGAAGGTGATTGTGGCTGCAACAAATGCTCATGCGGAGACAATTGCAAG  
TGCAATCCATGCAACTGCTAAATTTCAAAGCTTTGATATGGAAAGCATACTAATTTACATATTAATGTGCTTCT  
AATGATTTGAATTATGTATCAAATGGTTGTGTGTGTGTATGTTGTTTGTCTGTATGGTGTGTTGACAAAATGCCG  
CTTACAAATACTTGAGAAATAAAATACCACACAACAACCTATTATTATATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5917 X57693|B.vulgaris coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

GTTGTTGCCACCAAGTCTCTTGCTCCTATTAAGCTCAGCCTTAGTAGAAGTGGGTAGCGGCACTGGGTGGACG  
GTCTATCCGCCCTTAAGTGGTATTACCAGCCATTCTGGAGGAGCAGTTGATTTAGCAATTTTTAGTCTTCATCTA  
TCTGGTATTTTCATCCATTTTAGGTTCTATCAATTTTATCACGACTATTTTCAACATGCGTGGACCTGGAATGACT  
ATGCATAGATTACCCCTCTTTGTGTGGTCCGTTCTAGTGACAGCATTCCCTACTTTTATTATCACTTCCGGTACTG  
GCAGGGGCTATTACCATGTTATTAACCGATCGAACTTTAATAACAACCTTTTTGATCCCGCTGGAGGGGGAG  
ACCCCATATTATACCAGCATCTCTTTGGTTCTTCGGTCACCCTGAAGTTTACATCCTCATTCTGCCTGGATTCTG  
GTATCATCAGTCATATCGTTTCTACTTTTCCTGGA

>trans\_c\_5918 NM\_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)  
mRNA, complete cds

ACTCACAACCCCAAACGCAATAAGCAAACACGAAGCTATCCTTTTTCCACAAAAGAAATGGCCCATCATGGT  
GTAAGCAAGTTCAATTTCTCAAGGGAAGAGATGAAGGAAATCTTCCGTGAGCACGACATCGACGGAGACGGT  
TACCTCAGCATCGGTGAGCTCATCAAAGCCATGGGGTTCTTGGGTCACTCTATACCATTCTACAAAGCTCACTA  
CGGTATGGCTTATTCTGATGAGAATGGCGACGGCCTTATCTCAGAAGACGAGCTTGACAACTCATCGATTAT  
GCCGAAAGGTTTCAGAACAAAAAGCGTTGATAAAAAATTGGCAACACCCTATGCTTTTATGTTTTTGTTCCTAA  
GCTTTTGACTTTCTACTAATAAAGGAAGGAAGGGCTGGCTTGAGCAAGTTTGGTCCTCTTCTGTGTTTATGTA  
ATCTTGTTGCGAAATGGAAAAGGCTTCTAATATCTATTAGT

>trans\_c\_5919 GQ998263|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 ribosomal protein L2  
(rpl2) gene, complete cds; chloroplast

TCGAGCGCTCTTGCGCCGAAGATGAACGGGGCTAAGCCTGATCCAATTTGAGTACCTCCACAGGATAGACCTC  
AACAGAAAACCTGAAGAGTAACGGCAGCAAGTGATTGAGTTCAGTAGTTCCTCATATAAAATTATTGACTCTAG  
AGATATAGTAATATGGAGAAGACTAAATTGTTTCAAGCACCGACAGAACAGAGCGTCCCTTGTTTCAAAGA  
GAGGAGGACGGGTATTTCACATTTTATTTGATGGTCAGAGGCAAATTGAAAGCTAAGCAGTGGTAATTCTAA  
GGATTCCCGAGGGGAAAAATAGAGATGTCTCCTACGTTACCCGTAAAATGTGGAAGTATCGACGTAATTTTAT  
AGAGTCATTCGGTCTGAATGCTACATGAAGAACATAAGCCAGATGAAGGAACGGGAAGACCTAGGATGTAG  
AAGATCATAACATGAGTGATTGCGCAGATCTGGACACTGTCTCGGA

>trans\_c\_5920 GQ998311|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit K protein (ndhK) gene, complete cds; chloroplast

TGTTTTGTATACACGCATATTGAGCCTCGGGTTTAGGCGGACAACCCGGCAAATACACATCGACAGGAATTAA  
CTTATCGACTCCCCGAACAGTACTATAAGAATCGGTACTGAACATCCCTCCTGTAATTGTACATGCTCCCATAG  
CAATAACATATTTTGGTTCAGGCATTTGCTCATATAATCTTACTAAAGAAGGAGCCATTTTCATTGTTACCGTAC  
CCGCTGTAAAATTAAGTCTGCCTGTCTAGGACTAGATCTTGGTACCAGTCCATAACGATCAAAGTCGAATCGT  
GAACCTATTAATGAAGCGAATTCAATGAAGCAACAACCTGGTACCATAGAGAAGCGGCCATAAACTGGAGAGT  
CTTGACCAATTTGAAAGATCATTTAATGTAGTTGAAATAACTGAAGTTTGGGTTGTTGATCAAGTAAGGGAA  
ACTCGATGGAATTCATAACTGTCTCAATGTTTTTTTTAA

>trans\_c\_5921 X80755|C.annuum mRNA for PFTF (plastid fusion and/or translation factor

CCGGCGTTGAATCCTCTCTGGTCTGCGCCATTCAATCTCAGAGGCTACCATTCTTTCAATCACTCGTACTGCTT  
CGCTCCTATCCGTTTCCCCACAATCCTGTTCTCTGAAGGATAGTAAATATGGCTGCCTCTTCTGCATCTGCATG  
TCTTGTGGGAAACGGTATGTCCTCCCACTGTGCCAAATCAAATCTACGCAAGTTTTTGCATAACAGGCGATTCTG  
TCCCTTCTACAAGCCTCCAATCATTGGGAAAAAGAGCTAAAGCCGGTGTGGTAAAGGCGTCTATGGAACCAA  
GGGAGAACGAAGGAAGAAGAGACTTCCTAAAGTTATTGCTTGGTAATGTTGGAGTTGGTACGTCTGCTTTGTT



GGGAAATGGGAGGGCTAATGCTGATGACCAAGGGGTATCTTCATCTAGGATGTCTTATTCTAGGTTTTTGGAG  
TATTTGGATAAGGATAGAGTGAAGAAAGTAGATCTATT

>trans\_c\_5922 FJ647191|Ananas comosus zinc-finger transcription factor (RCHY1) mRNA, complete  
cds

GCGGAGATACAATTTGAGGTTGATGCATCCACTGTTTGACTCAGTTTAGTGGAATTGCATCCGGAGTCTTCA  
ACAAATCAAGTGATCATGATGTGCAAATGGTCACTATTCAAAGCTGGAGGCTCTGGAGTCCCCCAGTGCTGCG  
TTGTAGTTATTATATGGGTTCTAAACTCTTCTTTTTTGGATGAACTCTCCTCATGGAGTTCTGATGATTGGAG  
CTGTACAACGTTTCTTGAAGATATTATTTTCCATGGCAGAGGTTGCAACTTACTCAAAGCCTCAACCAATTG  
GGACGGAAGAAAATCAACATATGACATGCAGAGGAAAGGAGATAAGAACTGTGTACACTGAGCAGTTTGATT  
CTCTGGCGTTGCCCTTTGAGAAATCAAATGACCCCCAGGAGGTGTTGGAGAGGGAATACATGCAACATGGAT  
GTGCACATTATAGGCGAAGGTGTCGTATCAGAGCTCCCTGT

>trans\_c\_5923 AY062605|Arabidopsis thaliana photosystem II 5 kD protein precursor (At3g21050;  
MSA6.9) mRNA, complete cds

TCTCTAACCCCAATTTCTCAAATTCCTAAATATGGCTTCCATGGCTATGACAGCTTCCTTCCTCCCCACCGCCGC  
CACCAAACAACCTCCGCCACCCCCCGTAGAGCCCTTATTGTTGCCAAAGCATCCACCTCTAACGAAACCTCCA  
ATGTCAACTTGGAGGTCAAGAATGTGAAGGTAGAGAGCAGGCAAGGGCGGCGGGAGTTGGTGGCGGCTGC  
TGTCACAGTAGCTGCGGCAACCTTGGCGAAGGCGGCGATGGCGGATGAGCCGGCACGTGGGTCTCCTGAAG  
CCAAGCAGAAGTATGCTCCAATCTGTGTACAATGCCTACTGCCCGTATTTGCCGCAAGTGATTTTGAAGAGAT  
GTATTTTTTTCTCTGTTGTCTTTCTTCTTGTCTATTAACCCCTCCATTTGGTTTCAGACTTTGGAGTTTGA  
TTGTAAATCTGTAAACAAAGCTATGAATTGCCATG

>trans\_c\_5924 AF081955|Cucumis melo fatty acid 9-hydroperoxide lyase (HPL) mRNA, complete  
cds

GGAGAAGTTCGTGGGCGATAGGTTCTGTTGGGAGAGGAAGGGGAGAAGCTTTTGAAGTATGTTTACTGGTCAA  
ATGAGCGGGAGACAGTGGAGCCGACGGCGGAGAACAGCAGTGTCCGGGGAAGAATCTGGTGGTGCTGAT  
AGGTAGGATTATGGTGGTGGAATTTCTCCTCCGTTATGATACGTTACCGTGGAGGTTCGAGATTTGCCGCTG  
GGTCCGGCAGTGAAGTTCAAGTCCTTAACCAGAGCAACCGATATGGTTTAAAAGCTAATGACTAAATTAGTTT  
TTAATCATTTTACAGGTATTTTTATATTATGTTTTTTCATTTTCAAATTTCAAATTTGTTTCTTTAAGGTCATA  
CCAATTGGAGCAGCACTTTTATTCATTTCTAAAATTACAACCAAAAAACAAAAAACAACACACAAACAAAA  
AAAAAAAAGCCAAAAAAGGCTATGAATTGCCATG

>trans\_c\_5925 GQ997985|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 RNA polymerase  
beta' subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CCTCTATGACGACCATACGTAGAATACTATTAGATAGTACCCATAAATCTCATGATGGGTACCCAAAGATTCAT  
AGTGAACCTTCGATAGGGGCTTCTCTTGAAGCAATAACGCGTTGATCTAGTCGCCATCGGAGCCACAAAGGACT  
ATCTAAATTGATCCTTTTCTGGCGATAAGCTCCAATTGCATCATAGGAATTACAAAAAAGGGTTCTTTCGTAT  
ATTTATAGTTATTATTGTAAATTTTGCATTTATATGATTTTTCGATTAGATGGATTATACCGATTTGCACAAAT  
ACCTCGGCGATTCCCGCTCGTTAATACATAGAGTCCAATAAGCATATCTTGAGTTGGTACAGAAATGGGATCC  
CCAATAGCTGAAGACAGGAGATTCATATGAGAAAACATAAGTAAACGCGCCTCTGCTTGAGCCTCCAAAGATA  
AAGGTACATGAACAGCCATTTGATCCCCATCAAAG

>trans\_c\_5926 U81289|Pisum sativum NAP1Ps mRNA, complete cds

TGGGGATGCTCAGCAGGGGGAGAGGCCTCCAGAATGCAAACAGCAGTAGAAGTGAATTCGATTGGTCGGTG  
AGACTGTCTTGTGTCCGTCGTCTTTTGATAGTCCGCTGTACAAGTAATTTTTGGTTGGAAAGAGTGAGGGGAG  
GGAAGGGGCTAGGGGAATGGGTTTGCAGTTTCTATGGGTTTCATCTCTCTATTGTCTATGATTTTACTTCAAA  
ATTTTCTTCTATGCATTCTGGTACTTAAAAAAGGGGATTAGGAGAGTCCATTCCCTTTCCTTATTAGTATTA  
TTATTATTTTTTTTCTTCGATTGTGCTGCTTGTGAAGAGAGGGGATGGGTTTTTGTCTGCTGCGTCGTCT  
GTTGGGGAAGAAGTTGGGGATTAGTTTCTATGTGAAGTTGTTACATTTATTGAACCTGTTACAACATGTTTGT  
TGCTTTTATTTATATATTGAGATCTCTTTTAGTTT

>trans\_c\_5927 FJ014470|Camellia sinensis monodehydroascorbate reductase mRNA, complete cds

AAGAGGGAAAAGCCATCGAGGAGTATGACTATCTTCATACTTCTACTCTCGATCCTTCGATTATCATGGCAG  
TTTTACGGGGATAATGTTGGCGACGCAGTATTATTTGGAGACAACAGTCCTGATTCAGCTACTCACAAATTTG  
GGTCATATTGGATCAAAGATGGGAAGGTTCTGGGAGCTTTCCTAGAGAGTGGGAGTCTGAAGAAAACAAG  
GCCATTGCCAAAGTTGCTAGGATTCAACCATCAGTTGAGAACTCAGATTTGCTCCTTAAAGAAGGCATCTCCTT  
TGCATCCAAGGTTTAAAAGTTACATTTACCATCTACTGAATAAGTTCAAGTGCTTGGACTTAATATTTGATCAA  
CTTTTATTTTCATATATATTACTACTTTACATCATGATGTTATTGGAAAGTTGAGCTGAATCTGAAATCAAATTTT  
ATCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5928 X52493|Soybean RPB1-B2 gene for the largest subunit of RNA polymerase II (EC  
2.7.7.6)

ACGTTGTGAGTTACGAACTTACAGTTAAGATTTGTTAGATCGTTTTGAAAGTTCAAGTGATACTTGGACATGTT  
TTGAATGCGTTTTAGGTTGGTTTGACACTAAGTTTGTGCACTCACACACGTTGCCACTTTGGGTCTTAAA  
GTGCTTTTTTACACTTTTTGAACTTTCCGCTAGGTTGTGAGCTATGAACTTACACTTAAGATGTCTTAGGTCGT  
TTTTTAAGGTCCAAGCGATACGTAGACATGTTTTCAACACCTTTTAGGTTTGTTTAACTTAGTTTGTGAACT  
TACGCACTTTGTTGCCATTTTGGGTCTTGAAAGGCTCTTTTCTCACTTTTTTAACTTTTTGCTAGGTTATGAGTAA  
CCAATTACACTTAAGCTTTGTTAGATCGTTTCTAAAATTCAAGTGATAATTAGACTCGTTTTGAACACTTTTAA  
GGTTGGTTTGAGGGTAAGTTTGTGT

>trans\_c\_5929 AY527169|Citrus lanatus var. lanatus NADH dehydrogenase subunit F (ndhF)  
gene, 3' UTR; chloroplast

GATGAATTCCACTTTAAAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAAACTTCTTACCCTCCGGA  
TGGAATAAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTTCTGGTTTGAAAAACCTCTT  
GTGACTATCCTTTTCGACTATAAACGATGGAATCGTCCAGTTTCGATATATAAAAAATGATAAATTTGAAAATGC  
TGTTAGAAAAAAACAAAGTAAATTAATAATATAAACTAACTAAATAAGCTAAATACAACAAGATATAAGACG  
AGATTCGACCACCTCCTACATATTTAATACTTTCTGCTACAAAAAATTAAGAATACCCACCGCATTGATAATTC  
CATCAATTTAGGCAGCTAGTTTTTTTTCTTTTTCACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTT  
AATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAG

>trans\_c\_5930 NM\_111140|Arabidopsis thaliana DJ-1 family protein / protease-related  
(AT3G02720) mRNA, complete cds

TATCTGCCATGGACAACAGATCTTATCTGCTGCTGGAGTTCTTCAGGGGAGGAAATGCACGGCTTACCCAGCC  
GTGAAACTGAATGTGGAATTGTCTGGAGCAACATGGTTGGAACCTGATCCAATCGACCGGTGCTTACCGACG  
GTAACCTTGTTACTGGAGCAGCTTGGCCTGGCCATCCTCAGTTCATTTGCGAGTTGATGACACTTTGCGGAATC  
CAAGTGACATTTTGATCCTAGCTTAACCAGGAGAGTTCATGTTGAACTTATTACACGAGCACGTCTAAATAAAC  
ACGATAAAAAGAAAGCAATAAATGTAGAATAATGTTTTATGTTTTGGATACGCCAACACCCTGTATTTTGCTAT

TCCTGGAAATGTTGTGTTGTAGCTTATACAAATGTTAATGTTTTGGAAATCTCTATCCTTTTCTTAGTTTTCAATG  
CAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5931 GQ997986|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 ribosomal protein  
S11 (rps11) gene, complete cds; chloroplast

GCAAAACCCATACCAAGAATCGGTTACGTAGAAATGGACGTATTAGCTCACGTAAAAGTACGCGTAGAATAC  
CAAAGGGCGTTATTCATGTTCAAGCAAGTTTTAACAATACAATTGTGACTGTTACAGATGTACGGGGTCGGGT  
AATTTCTTGGTCTCCGCCGGTACGTGTGGATTCAAAGGTACAAGAAGAGGGACACCATTTGCCGCCCAAACC  
GCAGCAGGAAATGCTATTCGGGCAGTAGTGGATCAAGGGATGCAACGAGCCGAAGTTATGATAAAGGGCCC  
CGGTCTCGGAAGAGATGCAGCATTAAGAGCTATTCGGAGAAGCGGTATACTATTAAGTTTCATACGGGATGT  
AACCCCTATGCCACATAATGGCTGTAGGCCCCCTAAAAAAGAAGTGTGTAAAAATAAACATTGAAGAGAAAT  
TTCAAGAGAAATAAATAATTCAATAGCCCCGCTGGGGGGC

>trans\_c\_5932 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTTGATTTGATCCATAACCTGACCTAGATCAATATTATAAACTCAAT  
ACTGTAAATTAAAGTATCGTTCTCGTCTCCATTCTTCGTACATTGTTGGAACATATATTGAATATGTATCAATA  
TGGAAATATTTGGCACATGGAGCCGTGATCTGATATATAATCTATCTTTTTTATAGAGATAGAAAATATCTTAT  
CTTATAGAGATAGAAATTTATCTTATCCTCTGTTATCTTCTGTTTTGGAATCAAAGAAAGATATTTTAAACGGC  
TCATATGTTGTGACTTGAATAAACGTTTCTCTGTGGAGAAAGAGAAATAGCAATTTTTTACTATAGAACGTCT  
ACAAACAAGAGGATTTAATCGGAAATATCGACAGATTCCTGTGTGTGGAGTCCAAATAAATATGAAAATGAA  
ATAAAAAAGATCCACTGTTCTAATGT

>trans\_c\_5933 XM\_002873176|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidase M50 family protein,  
mRNA

AAGAAAGGCATCATCTCGAATCACTGGCGTCTCGATTGTTCTTCTAGGACTAGCCTCTCTGTTTAGTGATGTAG  
CATTTTATTGGGTAGCTTTGATATTCTTCTTACAAAGGGGTCCAATTGCTCCACTTTCTGAGGAAATCACCGATC  
CTGATGAGAAGTATATTGGTCTTGGAATTCTAGTTTTGTTTTAGGATTGCTGGTTTGCTTACCATTCCCCTTCC  
CCTTCTCAGAAGAAGCCATCTCCAATTTTTGATGTTAGAGGCCCTCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAACTAC  
TTCAATGTACATTGGTAGCTACTTAAACTTAAAAAATCCCCCAATTCCATTCCATTCCATTAATTACTTAACT  
CCATTTTGATACACAAAATTCACAATGCATCATAATCAAATCAATAAAAAAATATTGGAAAACTTTACAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5934 NM\_001036140|Arabidopsis thaliana LHCA3; chlorophyll binding (LHCA3) mRNA,  
complete cds

TGGTGGGCCATTGTTCAACCCACTAGGGTTTGGTAAAGATGAGAAGTCAATGAAGGAATTGAAGTTGAAGGA  
AATTAAGAATGGAAGGCTAGCAATGTTGGCAATTTGGGTTACTTTATACAAGGTCTTGTTACTGGTGTGGA  
CCTTACCAAATCTTTGGATCATTTGTCTGACCCTGTCAACAACAATATTTTGACCAGCCTTAAATCCACTAG  
AAGGGTTTATATGTGAATTGTAATTTGTGTAATGTATTAATATGGATCACAATCCCCTTTGGGTTGCTTTTGA  
GCTTTCAAAAATTGTTTCCCCACTCTATTGTAACATGATTTGAGGAAAACTTTTCTCTAATATTTTGCATCTTC  
CTCTTTGTAAGAGTATGGGCATACGTATTTAAAAATTAGTATAAGATTCTACAAGATATTTTATATGAGGAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5935 NM\_001070325|Oryza sativa Japonica Group Os09g0537100 (Os09g0537100)  
mRNA, complete cds

ATTTTACATAAAGAAAAGAAAAAATAGTAAAGTAAAAATGTCGGCAATGGTAGAGTCATGGATGAACGAA  
CTTGAAAAATGGAAAAACAGAGTTGAAGCTCAAAACAACAACAACAACAACAACAAGCCATTGATG  
CCCAATCCAATCAACTCCAAACAGATCACTTCAAAACACCTCCCAAAACCCACATCCCGGATTCCGACGACAC  
AGATACCTCCGTCCTCTCTGAATCCACCATTTGTTTGCTCATAGATCGCTTTGCTCCTTTGTGATTATGCTCTCTT  
TCAATAATTCCTCTTCCTCTTTTCATTTTACTCTGTATATTGATGAATATATATCTAATGTAATTGTAAAGGAAA  
CAGTAATCTAGTTTTGTCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5936 GQ998735|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 2 protein (ndhB) gene, complete cds; chloroplast

AGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCTACGGGGAAAAGTAGTAACCACTCCTGACGTATACGAAGGAGTGCGGTT  
CGTTCGATAAATTCCTACCTCTCTATCTCTGAGATGTTTGGATTTTCAAACCTTCATGGACATGCAGAAG  
AGAAATACTATCCCCACTCGGACCAAGACATAACTTTTACTTGTTCAAATAACAATTAAGGTGAAGCAGGGTC  
AGGAACAACGAATCTCTTTATGATAAACAGATTCATTTTGCAAGTTCGTTATTACGGGTAGTTCCTACAAAGGA  
TCGGACTAATGACGTATACAATACTTGAATTCTCGATGTAGATGCTACATAGTTGGTTCTCATCCTTCAGAGAC  
TACGAGTGTAATAGGAGCATCCGTCGACAAAAGGATCACCTAAGATGATCATCACATGGCTATTGAGAACG  
AATCAAATCAGATGGTTCTATTCTCATACTGT

>trans\_c\_5937 AY274821|*Cucumis sativus* ATPase subunit III mRNA, complete cds

ACGGTCGTTGGAGCTCACCGCTAAGCCACGTTACATGCAATAGTACCTAGAATGACTACTGGAAAAACAAAA  
GGATTGCGAAATAAAAGTGCTAATGCTACAAGTCCATAAATTGTTAAAGCTTCCATAAAAGCCAGACTAA  
GCAATAAAGTACCTCGGATTTTCCCTCCGCTCGGGTTGTCTCGCGATCCCTTCTACAGCTTGGCCCGCAGCA  
GTACCTTGACCAATCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCGACGGCCAACCCAGCAGCAATAACGGAAGCGGCA  
GAAATCAGTGGATTCATGATAAGTTCCTCACACCAAAGAAAGAAATGGTTAATGATACAATCAACCAATGAA  
TTATAACTTATTATCCATCACTAAGATTTTCGCTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCG  
AGAGTCGTTGTTAGTAATCTTCTCCTCTTTT

>trans\_c\_5938 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

AGAAACGTCTCAGTAGTCCGGATACGAGCCAAAACATGAAAACCTTATATTCCCTGAGGAGGTTCTACCCCGT  
GGAAACGCTCTTTAATGGAACCTTAGCTTTAGCTGGTCGTGACCACTCCCAACAATTGGGATAGGTTGTTTAAT  
TTCCGTAAATCAGGCGACCGGGCGCCGGTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGGATTAATCGTATT  
CTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTCTGACCGGAGAAGCCCATGTATGATCATAGGATT  
TCGATCCTATTCTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCCGGATTATTTTCA  
TTTTCTTTTTCTACGTAACCAATCTTCTCATATACGATTAACCTTCTTATAGGGGCTTTTTTGAGCGAATATATT  
CTATGGAAAAATCGAACATCTTGTCAAAGT

>trans\_c\_5939 EU106891|*Jatropha curcas* chloroplast acyl-ACP thioesterase mRNA, complete cds;  
nuclear gene for chloroplast product

AGACAAGAAAGTTGTCAAAAATTCCTGAGGATGTGAGGAGAGAAATAGAGCCATTTTTTATGAATACTGCGC  
CTGTTATTGAAGATGATGGAAGGAGGCTTCAAAAATCGATGATGATACAGCTGATTATGTTGAGCGGGTTT  
GACTCCTAAATGGAGTGATTTAGATGTCAACCAGCATGTGAATAATGTGAAGTACATTGGCTGGATTCTTGAG  
AGTGCCCCGCCACCGATATTAGAGAGTCATGAGCTTCTTCCATCAATTTGGAGTATCGGAGAGAATGTGGGA  
GGGACAGTGTCTGTCAGTCACTCACTGCGGTCACTGGCACAGACGTTGGAACCTTAGCAACTTCTGGCGATGT

>trans\_c\_5944 EU922227|Geranium carolinianum ribosomal protein S16 (rps16) gene, complete cds; chloroplast

TTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGCAGTGGTCATCTGACCAGTCCAAGAAATTAGAGGTT  
ATGGTAAAACCTTCGTTTAAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAGCCGTTTATCGAATCATTGCAATTGATGTTT  
GATGCCGAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGTAAAGTGGGTTTTATGATCCGATAAAGAATCAAACCTATTTAAA  
TGTTCTGCTATTCTATATTTCTTGAAAAGGGTGCTCAACCTACAGGAACTGTTGATGATATTTAAAGAAGG  
CAGGTGTTTTACGGAACCTCACCTTAATCAATAACCGAAATCCATTTTTATTAATGAAATAAAAAACGAGG  
GTGTGATAACTTAACTTGATATAGCTTTGACTAACCTTTCTTTAGTATTTCCCCCTCTCTTGTCTATTTCATA  
CTATACACTTATTACCTTAAAT

>trans\_c\_5945 NM\_001049281|Oryza sativa Japonica Group Os01g0279200 (Os01g0279200)  
mRNA, complete cds

ACACCAGCAGCCGGATTCCATTTATAACAAAGGAACTCACTGAGCCGGAGAAAGATGTTGAGCCATTATTAGA  
TTCGCTAATCCTGTATAATCACATTAATGGGCACATTGATCATGTGAATAGACTTTTGGAGCGGGCTGACAGG  
TCTAAAGGAATGAGGAAGTATACTGCCATATATAAATGGAATACTCAGTTGAAATCCCTCTTCAAACCTGTCAG  
CAACCGAGTATATTGAATCTTATTGCATAACCTAATTGTTGTTTCATTTACGTCTTCACAGAGTGTTGAGGAATC  
TCCGAGTCTAATTTTTTTGTGTTAAATTCTATGCGTTGTCTGTTTATGTGAATGACACTGTAAACCCAACCTGTTT  
TTTGAAGCTCTATCAGATATCCCCAGTTACCTGGAAACGGCCACAATTATCATCAAAAATCATCCAGGGAAT  
GTGATGGAGGCTATGGAGTTGTGGT

>trans\_c\_5946 AJ849378|Lycopersicon esculentum mRNA for formate dehydrogenase (fdh gene)

TGATGTACTTGTCATCAACACTCCTCTAACTGACAAGACAAGGGGACTATTTAACAAGAGAGAATTGCCAAG  
TGCAAGAAAGGAGTACTGATTGTTAACAATGCTCGAGGAGCAATTATGGATACTCAAGCAGTTGTTGACGCTT  
GTAACAGTGGACACATTGGAGGTTACAGTGGTGATGTGTGGAACCCACAACCAGCTCCCAAGGACCATCCAT  
GGCGTTACATGCCTAACCAAGCTATGACACCTCATATTTGCGGCACTACCATCGATGCACAGTTGCGATATGCT  
GCCGGAATTAAGGACATGCTTGAAAGGTACTTCAAAGGAGAGGAATCCCTGCTCAAACTACATCGTCAAG  
GAAGGACAACCTGCACCTCAATACCGGGAAGTCCTTTAGGTTTTGTTTTATCTCCCATGGGGTCTCTCACTCT  
CTCCCACTTAGTCAACAAATAGTTCCCCAA

>trans\_c\_5947 AY140088|Arabidopsis thaliana seed maturation-like protein (At5g14970) mRNA,  
complete cds

ATGAACTCAATGCTCAGAAGCAAGAAAATTTCCAGATAGAACATGGCAGAGGAAACAGAAACGATCTGTTGG  
AATATCTACGGTCGTTGGATTCCAATATGGTGACTGAACTCTGCAACCATCCACGTCAGAGGTGGAGGAAAT  
CATTACGAACCTTGTGGAAACATATTGCAAAGGTTCTTCAAAGATGATGCTAGCTCTAGTTTCATTGAGGATT  
CGAGTGTGGCAGATTTAGAGAACTTGCAAGATGCTGGCGATGAGTTTTGTGATACTGTAGGCACTTCTCGGG  
ATTACCTAGCAAAGCTTTTATTCTGGTGTATGTTATTGGGGCATCACTTGAGAAGCTTGAGAATAGGTTGCA  
GTTAAGCTGTGTCGTTGGGTTGTTATGAGAGAAGGAAGTGATATTCTTCTGTACCCTTAACCCCCCCCCCCC  
CGCGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5948 NM\_001125122|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L29 (RPL29B)  
(AT3G06680) mRNA, complete cds

AGCTCGTTCAAATTCCTCGCTTCTTCATCTTCTCGATTTCTTCTCCAATCTCTGTTGTGCTTTCCGTTTCAGAAA  
TGGCGAAGTCGAAGAATCACACAGCTCACAATCAATCCTACAAAGCCCATAAGAACGGTATCAAGAAACCAA  
GGAAGCACCGCCACACTTCCACCAAAGGGATGGATCCGAAATTCCCCGAAGACCAGAGGTACGCGAAGAAAC  
ACAATACCAAGAGTGGGGAAAATGCTTCTGGGGAAGAGTAAAGTAGCCGCCGCAAGTTTAGGGTTTTTATT  
ATTCAAATTTTTGTTATTGCTCTTGTGTTTGTTCAGTAGTCTTGATATTTGACTCAATTTGGAGACTTTTTCGCTCT

GAGGCATATTTTACGAAAATACATTATCTGATTTGCAATTTTAAAGCTTCTACTGTTGATTACATCTCCAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5949 DQ296038|Arachis hypogaea chloroplast photosystem II 10 kDa protein mRNA,  
partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCCAGTGCAGACTTAAGACTGTCGTCAAGACTGTCT  
GAGGCCCACTAGAAAGGACAATGATCTCCGATTCGAGAGGTCTTCATCTCTGGCGAGAACTCCGCCTCC  
TTCAAGGTCGTCGCCAGTGGTGGGAAGAAGATCAAGACCGACAAACCATACGGAATCAATGGTTCGATGAAT  
TTGAGGGATGGAGTTGATGCATCGGGAAGGAAGCCCAAGGGAAGGGAGTGTACCAATTTGTCGACAAGTA  
CGGAGCCAATGTCGATGGTTACAGTCCCATCTACGATACCAAGACTGGTCTCCAAGTGGTGATGTCTATGTT  
GGTGGTACTACTGGGTTAGCCATTTGGGCAGTGACTTTGGCTGGTCTTCTTGCTGGAGGTGCTCTTCTGTGTA  
CAACACCAGTGCTTTGGTGCACATTCACAAGA

>trans\_c\_5950 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGCAAATTTAGATCGTTGTACCCTGTGCAAGTAAGGAACCATGGCATATATGTTTGGAATAGATTCTGCCCTG  
AGAGAGTTGAAAAAGCACTATCTCGTTGAAAGTTCTATACATCTGCCCTTTCTCAAGGCATTTCTTTAGACAA  
AGACTCCGTTTTTCTCTTTTCGGATGGTAAATATTTCTCAGAACATGGAGTGCGAATCAAACCCATGTTGTCC  
GTGAAATTGAGATACTGATGCAAGTTCTTCCCTCTGAATCAGATAGATTCATATCTGAAAGAGGTTGACAAT  
AAGTTCTTTCAAATTGACTATTTGTCCCTCTGTTAGAGGTGTTCCAGAAATGTCTGCGATCGAGTAAATAGCT  
CGACGAACGAATGGATCGGATCGAATTGGAAAATGGAAAGATTTGTACAAGTTATACCTTTCGTCAACCACTTT  
GTGGAAAATCGTTATCGAGTAAATA

>trans\_c\_5951 Novel Gene

AACCCCAGATAGTCCTAGCCGTAAACGATGGATACTAGGCGCTGTGCGTATCGACCCGTGCAGTGCTGTAGCT  
AACGCGTTAAGTATCCCGCCTGGGGAGTACGTTGCAAGAATGAAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCGCA  
CAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAAATATAAGAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAA  
AACCTGTCCTTAACGGGATGGTACGGGGATACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCGTAGAGTGT  
TTGGTTGGACTTTATAACGAGCGAAACCCTCGTTTTGTGTTGCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGC  
AACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCGACTAATTGAGTGCCACGTGCATCTGACATCAC  
TGACTGTCCTTTCTAACCGCTTCCCTGAAA

>trans\_c\_5952 HM803264|Rhizanthus lowii 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; plastid

AACCCCAGATAGTCCTAGCCGTAAACGATGGATACTAGGCGCTGTGCGTATCGACCCGTGCAGTGCTGTAGCT  
AACGCGTTAAGTATCCCGCCTGGGGAGTACGTTGCAAGAATGAAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCGCA  
CAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAAATATAAGAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAA  
AACCTGTCCTTAACGGGATGGTACGCGGACACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCGTAAGACAC  
CACCAACCTGAAATACCATCTATCCCAAAGATTTTTGTGTTGCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGC  
AACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCGACTAATTGAGTGCCACGTGCATCTGACATCAC  
TGACTGTCCTTTCTAACCGCTTCCCTGAAA

>trans\_c\_5953 AY050481|Arabidopsis thaliana AT5g22580/MQJ16\_12 mRNA, complete cds

GGGAGCAGCCATGGGAGAAGAGTTCAAGCACTTGGTGCTCGTAAAGTTTAAGGAAGGGGCAGCGGTGGAA  
GAGATTCTCAAAGGCATGGAGAACCTCGTCTCTGAAGTCGAAGCTGTCAAATCCTTTGAGTGGGGACAGGAA

ATGGAGGGACCAGAGATGCTTACACAGGGATTACGCATGCCTTCTTGATGACATTTGAAAAACAAGGAGGCT  
CATACTGCGTTCTGTTGGGACATCCCAAGCATGTTGAATTCTCTGCGACATTCTCAGCAGCCATTGACAAGATTGT  
GGTGCTTGATTTCCAGCTATCCGCGCCAAACCACCTCTACCGGCTTGAATATCAGCCAGTGCCTCTTTGTGTT  
GGAAATGTAAAACCCCTACATGATGAGTATTTTTATAATAGTACTACTGTTTGTTCCTTCAACAAAGCTATTCTCT  
TTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5954 NM\_111550|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L29 (RPL29A) (AT3G06700)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTTAGTTCAAGCCACAAACAATGGGATATCAGATAATATATTGATGTAAATCA  
GATCTCAGAAGAAACAGTTTCCACATTGAGTCGAAAATAGCAAGGCTACTAAACAAAAACAAGTGCAGATACC  
AAAAGATTCCATACAAGACAATCTCATATCATAAAAACCTAAACATGTCGGCTACATAGAGTTCTACCTTACT  
CTTCCCCAGAAGCATTTTCCCCACTCTTGTTATTGTGTTTCTTCGCGTACCTCTGGTTCCTAAGGAATTCGGATC  
CATCCCTTTGGTGGAAGTGTGGCGGTGCTTCCTTGGTTTCTTGATACCGTCTTATGGGCTTTGTAGGATTGAT  
TGTGAGCTGTGTGATTCTTCGACTTCGCCATCTCTGAACGGAAAGCACAGAGGAGAGAGTGAAATCCGATCT  
CTGTTGTAATCGATAGGAAGA

>trans\_c\_5955 NM\_101598|Arabidopsis thaliana UBP1B (oligouridylate binding protein 1B); mRNA  
3'-UTR binding (UBP1B) mRNA, complete cds

CTCATCCTATGAAACAGGCACCTATGGGAATGGGTGCAGCTGCAGCTAGCCAGGCTTTATACGATGGTGGCTT  
CCAGAACATGCAGCACAGCAACTTATGTACTACCAGTAGTAAATATGGCTTAGCTTTTGCTTTTGCTTGATGAA  
ATCTATTTATATCTTACTTTTTCTGAGATTATGAGCCTTCAATGCACCCTCTATATCTGAGTTTTTCTTTTTTTG  
GTGTTTCAGATTCTTTTGACCTACAAATGGAAATTATGTTTGTACATTTGCTTTTTCTTTTTTGTAGTGTATTATT  
AGGGCCAGGGTCGGTGGCTATGGGCAATTGAGGAAGCTTGTTGATCAATCAGAATGTACTTTGTTACTTTGTT  
TTCTTTCTGAAAGACAATCTTGTCGTTACATACAATATAATATAGAACATATTCAACTGATTTAACCCCTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5956 GQ998800|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C ATP synthase CF0 subunit I protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAATCCAAAAAATTTTCTTACTTTATACATAACATAGGTCATCG  
ATTCAGCATTGGATAAAAAAGAAAAATGAGGGTGAAATCCTCATTTTTTTAGTTTTTTACAAAAAATCTAA  
TATTCTATTAATAAGAAAATAATAAAAAAGGGGGTTCAAATCATTTTATCGACATGAGTGTCTATATCGAA  
AAAAAGCCCACTATTTGAAACGATTTATGTATTAACATGTATTAACGCGAGAGTAGAAAGAGTACCATGC  
TACGTCTGGACTTCAAACGTTTTAACCATGTTAATAGTCCACATTATTGGTTGATAGAGAATCAAAGTTGATT  
TACCAATGAATCACGAAATGCTATGGTTCTCAATATGATTTCTTCATTTGTCAGAAGTAATTCGCGGGATCAT  
GCACCTTTTCGTAGTTA

>trans\_c\_5957 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTGAATACATTCCTTCGTGCTCACGTATTAGAGGGTTAAATTAATCCTTT  
CCGGAGAATTAGATGGTCTTCCCGAACAAGCCTTTATTTGGTAGGTAACATCGATGAAGCTACTGCGAAGGC  
TACGAACTTAGAAATGGAGAGCAAAATGAAGAAATGACCTTAAATCTTAGTGTCTGACTCCGAATCGAATTA  
TTTGGGATTGAGAAAGTGAAGAAATCATTTTAGTTACGAATAGTGGCCAAATTGGTGTATTACCAGATCACGC  
ACCTATTGCCACAGCTGTAGATATAGTGCGGGTGCCCATACGTTCCGTCTTCAATGATGGATGGTTAACGATG



GCTCTGATGGGTGGTTTTGCTAGAAATAGGCAATAATGAGGTCACTATTTAGCTCTTTCTTGATCTCGCAAACA  
ACAACATGCAATTACTCTTAGTTG

>trans\_c\_5958 Z82983|C.sinensis thi mRNA

AAAATGGCTTCCATTGCTTCCACTCTCACCACCAAGCTCCAAATACCTTCTTTACTTCATGACTCCTCTTTCCATG  
GCACACCTCTCGCCTCACCTCCTTCTCTCCGCCTCAAATCCCCCGCCGCCACATCTCTCACCATCTCTGCCTCCGC  
CTCTCAGCCTCCCTACGATTTAAACCAATTCAAATTCAACCCTATCAGAGAATCTATCGTCTCTCGGGAGATGA  
CCCGTCGTTACATGACCGATATGATTACCTACGCTGACACTGACGTTATCATCGTCGGCGCTGGCTCCGCTGG  
GCTCTCTTGCGCTTACGAACTCAGCAAAAACCCCAATATTCGTATTGCCATCATCGAACAATCCGTGAGCCCCG  
GTGGCGGTGCATGGCTCGGCGGCCAACTCTTCTCTGCTATGGTGGTCCGTAAGCCAGCCCATTTATCTCCAAG  
CAGAACAAACACACTCAT

>trans\_c\_5959 AL161555|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 55

TTCTTTTCCACAGCCTTCGTGAATTATGAATTGATTACTTTGGAAAGAGCGACCAAATAAATAAAAAGGCCGA  
AGTCCAAAAAACCCAAAGAAAAATCCCTTTTCTCCTCTGTCTCCTCTCTCTCCTCGCCGGCGTTGCGGTGGCTAT  
CTTGCCGGCGTTGCTTGTCTCTCAATTCATCAGATTCTCGGTTCTCTGATTCTACGGCGGAGAGGGAGGGC  
GATAGTGGGAAAGATTCTTTACATTTAGGGAAGAATGGGGAGATTGCAGCTGAACTTGACGACGACCATGG  
AGATGGGAGTTACGGCGACCAGCTGGTGGGAATGACATCAACGAATCTACTTTTTGGCAGGATCGGATTTTCTA  
CTCTCTTTGTGCTGTATATGCGCTAGTCTCCGCCGTTGCTTTGGTCTCTCTCTTTGCTTCCGTACCCCATCCATC  
TAAACTTATCTGCTATGTG

>trans\_c\_5960 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TTGTCTGTAGCTGGATTCTCCGGAACCACAAGAATCCTTAGTTAGAATGGGATTCCAACCTCAGTACCTTTTGAG  
ATTTTGAGAAGAGTTGCTCTTTGGAGAGCACAGTACGATGAAAGTTGTAAGCTGTGTTGGGGGGGAGTTAT  
TGTCTATCGTTGGCCTCTATGGTAGAATCAGTCGGGGGCCTTCGAGGCGGTGGTTTACCCTGTGGCGGATGTC  
AGCGGTTGAGTCCGCTTATCTCCAACCTCGTGAACCTAGCCGATACAAAGCTATATGATAGCACTCCATTTTTC  
CGATTGCGCAGTTCGATCTATGATTTCTCATTGACGTTGATAAGATCCTTCATTTAGCAGCACCTTAGG  
ATGGCATAGCCCCGGGAAAGAGGGCGAGGTTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAGGCACCCAG  
AGACGAGGAAGGGCGTAGTAAGCGA

>trans\_c\_5961 AF344539|Cordobia argentea maturase (matK) gene, complete cds; chloroplast  
gene for chloroplast product

AGTAAAAGACAACAAACCTCCAATTTATCTCTTCAACACCATGCATGAATTACACTTGGGAAGGATAATAAGTT  
CTTAGAAAATGAAAAACCACACAGAAATTAATAATATTATTATAAGCTGTGGTCTTTTATTGGACAAAAAAG  
AGAAAAAAACTGTTACAAATTAATTAAGCAGCTGGTGGAGGAGGAGGAGGAAGATACCCACTTGATCTTGT  
ATTATTATTTGGCCCTGGATCTGCATAATCCATTATTTCAATCATCATTTTTCTTGATTTTCCACCAATTCCCTTGA  
GTGATGAACTTCTAACATTGCTTCCATGTCCCAAAGATTGATCATTTCCACTTTCAATCCATGAGTGAAAGAA  
AAAAGAAGAAAACATGAAAGGAGAAGAAGAGTTGAGAAAAGTTTAGGGTGAACCATAATCTTTCTCTCTCTA  
CCAAACTTTTTTTGTTACTTT

>trans\_c\_5962 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

AATAGATATTATATAAATAGGATTATAGTGGATGAATCTTCAAACGAGACATGTACCGATCGACTAATCCGGT  
ATATTTTCCACATTGATAGGAGTACGTTTATGTTTCTGCTTTACGAATATGATATTTTCTGGGTATTTCTAATAAT  
ATCAAGTCTTATTCCTATTTTGGCATTCTAATTTCTGGAGTTTATAGCCCTCTTAGCAAAGAGCCAGAGAACT  
TTCGAGTTATGAATCGGGAATAGAACCAATGGGCGATGCTTGGGTACAATTTAGAATCCGTTATTATATGTTT  
GCTCTAGTTTTTGTGTTTTTGATGTTGAAACAGTTTTTCTTTATCCGTGGGCAATGAGTTTTGATGTATTAGGG  
GTATCCGTCTTTATAGAAGCTTTAATTTTCGTGCTTATCCTAATTGTCGGTTTAGTTTATGCATGGCGTGGGAAG  
ATGCCATCCGTTGAG

>trans\_c\_5963 AY042881|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F21O3.2) mRNA, complete cds

TTCGAGCGGCCCCGGCCCCGGGGCAGTCATTCTCTTGAATTTGAATGGACCATTGTCTCTCTCCATAAATCC  
TTCCCTCTCATATCCCTTCCTTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCCAAATCCAAGCCCTATTTTTCTTCCTTCCGGAACTC  
CCGCTTACTTCTAGGTCCGCTTCCTTGGTTGTTCTTGCCAGTACTGGAGCCAGTCACTGTGAGTTTGGCAGTTT  
GAACACTCCTTTGGATCCCAAGTCTCCGTTGGTAAGCATCTAAGTAGAGTTTTGCAGAATTATAGGCACCTTT  
TTCATGTTTCTATTGAGGATGAGTTGAAACGCTTGGCTGACGACCGTCATGCTGCTCTTCATCGTATGCTGCTT  
GCCGCTGATTCTGATGAAGCCTTGCTGCATAGGAGGATTGCTCAATTGAAGGAACACGAGTGCCAAATAGCA  
GTTCAAGATGTCATGT

>trans\_c\_5964 AY042826|Arabidopsis thaliana glycine-rich RNA binding protein (At2g21660;  
F2G1.7) mRNA, complete cds

CAACATTTGGTGATATCGTTGAAGCCAAGGTCCGTTTGACGTCTCTCGAGTTCGGGTGGAAGAATCGGCTTTC  
TACATCCTTAATCTGATCTCTCAATCTGTGACTGTTTTGTGTTACTTTACTACTACTACTACTCTTGATATCT  
GTTACTTTTATTACTCTCCTTTAATCGATCGTTAGCGATCGTGAAGTTTTACAGAGACGAAGAACGATCGGTTC  
CTTTTTTTTTATCTTTTTCTTTTTGTTGATTTTTAGTTGTGTCTCTGTTAAATCGGTGTTGGTTCTGTGACTGATC  
TTATGTTTCCTTGTTTTTTTCATCAGATCGTTAGCGATCGTGAAACCGGAAGGTCGAGAGGATTTGGATTCTGTG  
ACGTTTTCCGAGGAGGATGCCATGAGAAGTGCTATTGAAGCAATGAATGGTCATATTCTCGACGGACGTAATA  
TTACCGTTAACGAG

>trans\_c\_5965 AB517657|Dianthus caryophyllus DcNCX1 gene for sodium/calcium exchanger  
protein, complete cds

ATCTGAAGTGCTGGTCATTCTCGTCGTTACAGTTGTAATGGGAGCCGTGGGTAGCTTCCGAAGTGCCTTCCCG  
CTCTGGACATCTCTGGTGGCTCTCCTTCTTACCCCTTCTCTTGTGCTGGTCTATGTTCTTGATTACGTCTTTG  
GTTGGTCATAGATCAGTTGGCGTTTTGAGTTCTATTCAAGGGGTTTATTCCTTTAAATTTCCGGATGTTTTTGCA  
CATACTCTCTGCTGAGCCGATGTTATACAATAACTCTTCTGCTCTCTTTTTATTTGCTTCATTTTTGTGTTGATATT  
GATATTGAAAGTGAAGTAGAATAATGAGCATAATTTGTTTATCGAATTATCTAATAAAAAAAGTTGGGGGACAT  
GGTGAACTCAAAAAGAAATTAATATATGTTATATACATCATTTACGTTGCTCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5966 NM\_119140|Arabidopsis thaliana PRHA (PATHOGENESIS RELATED HOMEODOMAIN  
PROTEIN A); protein binding / sequence-specific DNA binding / transcription activator/ > (PRHA)  
mRNA, complete cds

AATTAAGCTGCTCTATTTCCCTATAACATCCGTGTAAGCATAGGTTTGTCAATCAATGTAATGACACAGAATTA  
TACGAGTTTGTGGAGACTATCCATGTTACATTTCTTATACGATACCATAGATTATAATGATCCAATAATTCCTTG  
TTTGGTCTGTGTACACATCCTTTCACCAAGATGGTTGTGTATAGTGAGACAATTAGACATTTTCATAGGACCTA  
GAGGGCTTATAGTGATGTGTTCAATTAGTTTTAGGTGTTTGCTAGTTCTCATGTACTTCCCATAGCATCAAAT

CAAGTACGTGTTGTTTGGAAC TAACATAGATAAGTTTCTCTGATGCAATTTATTTTACCTCCATATCCTTTCATTC  
CAAGTGTATCTCAGGGCAGATTGTA CTGATTGCTGTTTGAAGGTTAAATCTGTCTAGTTCTTATTGAGCACAG  
TTCTTTTTTTCAA

>trans\_c\_5967 GQ997942|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

TTGACTACTGTATTGGGAATCACAATAGGCGTACTAGTAATTGTATGGTTAGAAAGAGAAATATCCGCAGGAA  
TACAACAACGGATTGGACCTGAATATGCTGGTCCTTTGGGAGTTCTTCAAGCTTTAGCAGATGGTACAAAAC  
ACTTTTTAAAGAAAATCTGCTTCCATCTAGAGGTGATACTCGCTTATTCAGTATGGGACCATCCATAGCAGTCA  
TATCATATTTACTAAGCTATTTAGTAATTCCTTTGGTTATCGCCTGTTTTAGCCGATCTACCTATCGGTGTTTT  
TTTATGGATTGCCATTTCAAGTGTTGCTCCCATCGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCCAATAATAAATATTC  
CTTCTTAGGTGGTCTACGAGCTGCTGCTCAATCACGGCTGGCGTCCCGCAACGGCCAGAGCGTGTGCGGCGA  
CCGCGAGAGCATGTGTC

>trans\_c\_5968 X71124|C.papaya mRNA for cysteine proteinase inhibitor

GGAAAGCAATTAGCATAGTTTCTTACAAAGTGTTATCTATCCAAAGGTATTAACAATGAGTTATGTGAATATTG  
CAGAATTTCTCTAGTACCAATTAAGGATATTGATTCTGAAGAAATGCAAGGATATGCAAGGTTTGCAACAGA  
AAAGCATAATGAAATTACAGGCGACAACTGCAGTTCAAGAGGGCAATAAATGGGTGGAAACAGGGACGAA  
GGTTGGGCCAAATACTTTTCACTTATGTGTTGGAAGCTGTAACTCGGGTGGATATGTTTGGACTTATCGAACT  
GTAGTATTTTACAATCAACGAGCAGCCTTACAACCTCATAGAATTTGGACCTGTTCTTCTGAGCATATAAAAAA  
CTAAACTACCTTCTACTTAACAATATCCAACATATATATAAATAAAATATAATTATTGTACTTACCTTAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5969 NM\_001056897|Oryza sativa Japonica Group Os03g0414400 (Os03g0414400)  
mRNA, complete cds

GAGAGCATAACAGGGAGCGAACTTGCCGGTTTCGCAGTGGGCGCTTGCTCGTTTGCGCCACTATTTCTGCCC  
CAAGAATCGATGCTTTCATCTCTTCTCTCAGCGCAGATCCTTGGGCATGTGCAAAAGATGTGGTGACCTAAG  
GATGATAGCATGTTCAAAATGTAAAGGAGTTGGATCAACCAAATCAGGTGGACTGTTTGGCATTAACTTCTT  
GCTGACTTTTACGAATCATTGAGCGAATCAAACGTGCCTTCTATCCCGTGCATGAGATGTAATGCCAAGGGTC  
GCTTCCAATGTCCGGATTGCAGCTCTCAACTCACACAACTTGATTTTTGTTCTTGATCATTTTCACTTAATACT  
CCTCCGACGTAATGAAAATGTACCAATTATTGTTCTTATATTAAGTATTACTCATTAATCCAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5970 XM\_002881770|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata amino acid transporter family  
protein, mRNA

TGTGGCTCATCTGGCCGGGCGATCGTTGATATTCTAATTATTTAGCTCAAACCGGCTTCTGCGTTGGGTATTT  
AGTCTTCATCGGCAATACGTTGAGCACTTTGTTCAACTCATCTTCCATGGCTTTAGGCTCCGATTTTCTGGGAGC  
TTCCCTAAAATCTTATACATAATTGGATGTTTACCCTTCCAATTGGGTCTGAATTCGATCAAATCCCTTACTCAT  
TTGGCTCCATTGAGTATTTTCGCACATGTAATTGATCTAGGAGCTATGGGAGTGGTGATTGTTGAAGATGTTTC  
TGTTTTCTTAAAGAATCGGCCTCCAGTGAAAGGATTGGAGGAGTATCAGTTTTCTTCTACGGCATGGGAGTA  
GCTGCTTACGCCTTTGAAGGAATCGCCATGATTCTCCCTCTAGAATCAGAGATGAAAGACAGAGATCAATTTG  
GTAAGATATTAGTT

>trans\_c\_5971 FJ461342|Populus tomentosa vacuolar processing enzyme a (VPEa) mRNA,  
complete cds

AAGGATTACACTGGTGAAGAGGTTAACGTGAACAACTTTTTGCTGCCATTCTTGAAACAGAACTGCTCTTAC  
AGGGGGCAGTGGGAAGGTTGTTGACAGTGGCCCTAATGATCATATTTTCATATACTACAGTGATCATGGTGGT  
CCTGGTGTGCTTGGGATGCCTACCTATCCTTATATTTACGCTGACGATCTTAATGAAGTTCTAAAGAAGAAGCA  
TGCTGCTGGATCCTACAAAAGTTTGGTATTCTATCTCGAAGCTTGTGAATCAGGAAGTATCTTTGAAGGCCTTC  
TTCCTGAAGGTTTGAACATTTATACAACAACTGCATCAAATGCTTATGAAAGCAGTTGGGGTACTTATTGTCCA  
GGGGACTATCCTGGTCTCCACCAGAGTATGATACTTGCTTGGGTGACTTGTACAGTGTGTCCAACCATCCA  
GTGTGTCGGGCTGTGGC

>trans\_c\_5972 AJ400821|Capsella rubella ORF1, ORF2, ORF3, ORF4, ORF5 and ORF6 (partial)

ACACCGTAAGTTTCTTCGACTCTTTCAAGTAGAGAGATCCAGTAATACCGAACTCCTTTGTTTGACGGTCCACA  
GCTCGTACTTAACCTTCTGGACCACAAGGATTATGATATGTTTCTCACTTTGAAGAAGATTGTCTGACTTTATCT  
TTCAGTCACATTTACTACCAGATCCTTGTGCATATGGTCACATTCTCATAGTTTTTTAGACTTTAGTGTATTATA  
AATTATTTGATTAAGCAATGGTTTCATGGACTACATTTTATCTCCATAATATCAATGTACATCGACAGTTACCTG  
CCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAGGCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGCCCCCGCCCCCAAAAACTTATCA  
AAACCCCAACCCAG

>trans\_c\_5973 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ACAGGAGCTGAATATGCAACAGCAATCCAAGGACGCATACCCAGACGAACTAGACCTGGTGACTCGACCC  
ATGTAACATGCTACACCAAGTAAGAAGTGTAGAACAATTAGCTCATAAGGACCACCGTTGTATAACCATTCAT  
CAACGGATCGTCGAAGGGTTTATGGGTAAAAGTGCAACCGATAGCTGCAGAAGTAGGGATAATAGCACCA  
GAAATAATATTGTTTCCGTAAAGTAGAGATCCAGAAAGGGGATAGGGTATTAATACATCTGACACATAATTTA  
AATGTGGGAATTTATCCTCTAAAAAAGGAAATATTGAATGACTTGATCGTAAATTATAAGATTTTGCATTCT  
TCTTCTTTAAGGAAGATACATAATCGTAGGGAAAATGGAATTTCCAGTTCACCTGTGGGGGTTCTGTTCAAGT  
CTACCGGTCTGTTAGGATGCT

>trans\_c\_5974 NM\_001061374|Oryza sativa Japonica Group Os05g0188100 (Os05g0188100)  
mRNA, complete cds

ACTCGTACTCATCCACTGTTAAGAAACGAATCACCGAATCGGCGGTAAGAAGATGAAGAAATCAGAGAAGAG  
TTCGAAGCCAACCGGAAAATCCGAAGTTAGGAAGGATCGGAAATCGGCAACAGGAATGAACGGATCACCGA  
AGAAAGGAGGCCATGGCGACAAGTTCACTTGGTCGGGAGACGGTACTCTCCGGCTGAGATCGGGTTCAAG  
GCTGAAGTTATGGACGTGAAGGACCCTAACTTTGAAGATCTGGAGGAGGCGGTGGCGGTGGCGGTTTGATTA  
GGTCATTTTCGAATCTGAGATTTGTAAATAGTCTTCATGAAAACGGTAAAAATCCGTGGTTCTTCCATTTGAAT  
AAAATCACGCAGCAGCATCGTTTTGTACAGTTTTCTGATATTTATAAATTTATTGTCGATCTTCGCCAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5975 AC215397|Solanum lycopersicum Tomato chromosome 2, C02HBa0155C10,  
complete sequence

TTAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAATTTTCTCAAACTTTTCTTCACCAAATTACAGAAGTCCACGATACGTTGA  
TTCTCATCTTGAAGATGGGAAAGATTTCTGTTGGTGGAGAAATCAACGACTTCGGAGAGATACTACAAGTTTTTT  
TTCCAGTTTTCTCCTTATAAGCATGCTTAAGCTTTAGTTTTAGTTTTGCTTTTGTGGAATTGGTTGGTTTTATA

AATTGAATTCCATTTGTATAGCTACACATGGCTTTGGGAACTCCATTTATTCAGCTTCCTCAATTGCTTCCATTA  
CAACCCTTTGAGCTTCTTGAACCTTCACACCCACTTTTCACTTCAGGTGTCAAATGGAAATGTCAATTCATTAAA  
TTGACCAAAGTTACCAAACATTTGATAGAGGAAGTATGAAGCAAAGAGCAAAAACCTTAGATGTAGGGGAATG  
CATAACACTC

>trans\_c\_5976 NM\_122908|Arabidopsis thaliana adenylate kinase family protein (AT5G35170)  
mRNA, complete cds

CTTCAGGAAAGGAAAAATATATTGAACTATCCAAGTACCCCAAAAGGCCATCCACCGATGATATCAATGATGC  
TTTTCAAGGAAACAGAAGAAAAGAAGTGAAGAACTCATCAGGAATCTGGGGCTTCCTGAGTGGGATTTTTTG  
AGCTCATGATGAACGGTTAAGCTATTGAAGATAAGATGCAAGCAAGATAAATTCAAAGGGGCAATCATGTAT  
AGAAAAGAAAGCAAATTCTGTATTTATACATTGAAATCTGTCTGAAGAAACAAAGCACAAGGTACAAACAACT  
TCAAATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5977 XM\_002317522|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS55),  
mRNA

CATTAGGAGTCTGCTCAAGTATTATTCGGACCATTACACGCTGGTCGAAAAGGATGGAGCTATGCTGCTGGGA  
TGGAAAAACAGGAACCTGATATCTGCCTCGGCTTGGTATTAAGTGCATGAGATTGGAGCAAAACGAAGACCG  
AGCTTGTGAGAATGGGTTATCGGTGGCTCCTTGACAGGCTCGCTCGGATGTGAAGCTGCTGATATCAACCATT  
GGGCTGACCAGGACATTCAAGTTAATACTGTGCACAAGACAATTGATGTCTAATTTGTGTTGGTGTGCAAGAA  
GTGTAATTTTATTAAGGTCTTTTACAGCTTTTGGACATAAGAATCCATTGTTCAATAGTGTAAATTTTAGTTTACA  
TATATATTTTTTTGTGTACTTCCAACAAAAAAATTGTTGAAGAAATAGTTTTATTTGAAGAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5978 AY077642|Cucumis melo galactinol synthase (GAS1) gene, complete cds

ATTGTGGAGAGTTACTCCATGTCTTCTCACAGAAGCAATCCATCACTGCGTAGAAGTATCCACTTGGCATTTC  
AACAAATGGTCTATGTTTTCGAACACTTGGACACTCTTGCTGTTTCATATCAGCTTCTCGTACTCCACAACTCC  
CAGATCCTGAGCTTTGAATAGTTGATAACATAGTAAGCCATGGCAAACCTGGGTCTGGTTTTCCGGAGGGTAAA  
CAGGTTGATCTCACTGACGACACAACCCTGATACTCGAGGATTTGGCGATGATCTTCAGGAACATCAGGAAG  
GACAGCGACAATGAGAGGGTAGGCGGCTTTGACCTTTCTGAGACCTTTGCCAATCCAACTACACCTTTCCAG  
TAGTCAACATTACCAGCTAAGAACGTCACGTACGCCCTCTTGGGAGCGTCAGTTGACTCAATGGCACTTTCTGG  
GGCAGCTGCAGGA

>trans\_c\_5979 X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

CCCGACAGGCCCGGGTAATCTTTGAAATTCATCGTGATGGGGATATCTATAAAAGGAGATCATATGAAAAAT  
GTAACCGATTCTTTCAATTTCTTTGGGTTACTGGCCATCCGCCGAGAGTTTCGGATTAAATACCGATATTTAGCA  
ACAAATCTAATAATCTAAGCGTAGTGCTTGGTGTATTGATTTTTTTTGGAAAGGGAGTGTTAAGTGATTTATT  
AGATAATCGAAAACAGAGGATCTTGCCCCACCGGAATCATGGTATGCACTTCCGTGTACTAGCTAAAGCGTTA  
CGTATGTCTGGTGGAGACCATATTCACGCTGGTACCGAGAGTTGTTTGTGCGATCTCTATCCTTATACCTGTC  
ATAGGTATTGGTATTTATCCAGATTTGTTTTCTCACTATCAGTTGACAAGGTCGAAGCTATTTTATCTATACGC  
CCCATCGAGCG

>trans\_c\_5980 CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

AGGAATTAGGTTTCCTACCCACCAGATGGAGGATGGCTGCAAGACATCTCGTATCTTCACGAACAAGCCCACT  
TGGAGTGCACGCCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCAAGCACGCCCATCCCGCTCTCACTCCTTGCCCGACG  
GTCGGATGTGGCACTCCGGCCGAACCTTCGTCCACCAAGCACAAAGCAATCGCAAGTTATCTCGTCTCCTCAC  
GAACAAGCCCGCTTGGAGTGCACGCCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCGCGCAAGCCCATCCGAGCATCA  
ACTCGACACCCGCTCTCACTCCCTGCCCCGACGGACAAGCCCATCGTTATGGCCAAACCCCTCCGCCAAGCACG  
AAGCAATCGCCAAGACAAGCACACTTGGAGTGCACGCCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCAAGCAAGCCC  
ATCCCTCTGCTGTCAATT

>trans\_c\_5981 Novel Gene

CCGCAAATGTTCAACCCGATGAATTATCAAAATCAGATGCAGAATCCCGCTTGCAAGAGCAGTATGCTCGTC  
TAATGGGATTCCATCATATGCAACCTGCCTCACAGCCCATAAATGTGTTAGATTTTGTCCCTCAGCAGTCTTG  
AGAGTCAACCTGCAGCAGCACCTGGCCCTGCTAGTGGTCTACTGCTGGAGGATCTATAACCAATGAGATTGT  
AAATGGAAATTTGGGTAAGTCTTATCGATCTTTCTTATTGTATCATTAACAAGTGATTAAAATTAATCTGGCTG  
CTTACGACTTAAATTAATTTCTACAAATCTTTTTCTTTGAATAAAAGCCTTACGGGTCAATTTGTATCTCCTTT  
GATATATTTGCCCCGTCATCTGGAAAGAAATGCATCATTTAATTCGCCTCTGACAAAAGAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_5982 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

TTTATCTTGAGCGCTTAATCTTCAGCAATTCATGGAAAGATGAATCGAGGAAAACTTATGAATGGACCGGCT  
ACAAGAAAAGACCTCATGATAGTCAATATGGGACCTCACCACCCCTCAATGCACGGTGTCTTCGACTCATCCT  
TACTTTGGATGGTGAAGATGTTATTGACTGTGAACCAATATTGGGTATTTACACAGAGGGATGGAAAAAATT  
GCAGAAAACCGAACAATTATACAATATCTACCTATGTAACACGTTGGGATTATTTAGCTACTATGTTTACAGA  
AGCAATAACCGTAAATGGTCCAGAACAGTTGGGAAATATTCAAGTCCCCAAAAGAGCTAGCTATATCAGAGTA  
ATTATGTTGGAGTTGAGTCGTATAGCTTCTCATCTGTTATGGCTTGGCCCTTTTATAATAATATAAAATATTGTC  
TTTCCCCCTCCC

>trans\_c\_5983 DQ273586|Flaveria pringlei carbonic anhydrase 2 mRNA, complete cds

AAGAGAAGCAGTGGTCAACAAGAAAGTGTTTATAAGGGGTGCACATTACAACCTTGTGTCTGGAGCTTTTGA  
GCTTTGGAATCTCGACTTTAATATTTCTCCTTCTCTAGCTGTTTGAGAGTACACCATAACAATACCTCATCAACGA  
CGACAATAATCAAACCTCGGCCGTTTGGTTACTTTTGAAGTTTCTTACTGTATTCTGCTATTGTAATTTGATCTGAG  
GCTCCCGTGAAGAAGCACTTATTTATACTTGCAAGGATGAACTGCTTTACTTGTATCTTCCCTCCAATAAGAG  
TTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTCTTCACTTCTCTTGTCTTGAAAATGTTTCTGTAATTCCTATCACTTTTGA  
ATGTTATAAATAATTAAGTATAATGAAATGTCTTGCTTCATTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAA

>trans\_c\_5984 DQ296038|Arachis hypogaea chloroplast photosystem II 10 kDa protein mRNA,  
partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGAATTCTGACAGCAGTTCTGACAGA  
CTCCGGGTTGATCTTTCTGTTACTAGAGAATCGGCGAGAGGTCTTCCATCTCTGGCGAGAACTCCGCCTCCT  
TCAAGGTCGTCGCCAGTGGTGGGAAGAAGATCAAGACCGACAAACCATACGGAATCAATGGTTCGATGAATT  
TGAGGGATGGAGTTGATGCATCGGGAAGGAAGCCCAAGGGAAAGGGAGTGACCAATTTGTGACAAAGTAC  
GGAGCCAATGTCGATGGTTACAGTCCCATCTACGATACCAAGACTGGTCTCCAAGTGGTGTATGTCTATGTTG  
GTGGTACTACTGGGTTAGCCATTTGGGCAGTGACTTTGGCTGGTCTTCTTGCTGGAGGTGCTCTCTCCACACGT  
GGTGTTGACACTTG

>trans\_c\_5985 EU016740|Anethum graveolens clp protease proteolytic subunit (clpP) gene, partial cds; chloroplast

ACGCCCCGCGGGTCTCTTTAAACAAGAAAACGGCGGATAAGATTAGGTATTTATGATACTATGCAATTTGT  
GCAACCACATGTACAGACAGTATGCATGGGATTAGCCGCTCAATGGGATCTTTTATTCTAGTCGGAGGAGAA  
ATTACCAAACGTCTAGCATTCCCGCACGCTAGGGTAATGATCCATCAACCTGCTAGTTCTTTTTATGAGGCACA  
AACGGGAGAATTTATCCTGGAAGCGAAAGAACTACTGAGGCTGCGCGAAATCCTCACAAGGGTTTATGTACA  
AAGAACAGGCAAACCTTATGGGTTATATCCGAAGACATGGAAAGGGATGTTTTTATGTCAGCAACAGAAGC  
CCAAGCTTATGGAATTGTTGATCTTGTAGCGTTGAATAACAAATAGCAGGTATTCACGCACCCGCGGCTTAT  
TTTTATAAAATTC

>trans\_c\_5986 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAAAGAGCAGCAGGTGCTGTAGCGAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCGGC  
CACATTAATAATTACCTTCTGGGGAGGTCCGTTTGATATCAAAAATTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTGGGG  
AATGCTGGGGTAAACCAGAAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCTGTAGTA  
AGAGGAGTAGTTATGAACCCTGTAGACACCCCATGGGGGTGGTGAAGGGAGGGCCCCAATTGGTAGAAA  
AAAACCCGCAACCCCTTGGGGTTATCCTGCACTTGAAGAAGAAGTAGAAAAAGGAATAAATATAGTGATAA  
TTTGATTCTTCGTCGCCGTAGTAAATAAGAGAGAAAATCTAATTTGTTTCTTCGCTTTACAAAACCCGTCCCCA  
AAAACCCCTTGGGGTGGG

>trans\_c\_5987 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

AGGCCAGGATAATTGGGAAAGAGAAAAGCAATTTGAACCGCTCACATCACAGTAGTAGCAAGTCAGTCG  
GGGGAGAAAATCAGGCTATTACTTTACATCTCTCTATCAAAAGATATCTATCTATCTATCGAGATCCGCTG  
CGTGAGCAACCCGACTGTGCCTGACATGTGCTCTACAGGCCGCACTCCTCTTCCAACGAGCCCATTTTTTGTC  
TTTTGATTTGGAAGAGTTCGTATAGATTGAGTTTCAGTCTGTCTCCAGATAGGGCCCCGCTAGCTAGTGAGCGG  
TTCTTTCGGGCGAGAAGCAGGCATCTCCCGCAACGCAAGCAGCATTCTTCGCCACTATCCGAGAAGCAAAAGA  
TGAGAGAGTCCAGGCTGAAAATACATGCATAGATAGTGGTCTAATGACAAGGGCCGAGGAAGCTCGGGACG  
GAGCCGTATGATG

>trans\_c\_5988 AC147426|Oryza sativa chromosome 3 B1377B10 genomic sequence, complete sequence

TCAACAATGGAAGCTTATGCAGCAAACAAAATGGTGAATGAAGAGGGCTCAATGGTTCCTGTCAGCTAAGTC  
TAAGACACAGATTTTTCAAAGAGCGCAAGCTTATGATGAGTCTGCTGATCAAGCAGGGAGAGTAGTGAGTTT  
GGCGAGTGGAGGCTCGGGCCGAAATAAGTAAGGGAAAAAAAAAATTTGTATCTTCTTGTATTATTGTATTGT  
ATCATCAGACAAAGGTGAGTAGATAATGTAATAGAGAATGATAGAGCCATATATATGGATAAAAAAATGCAG  
CCATATTTTAGGCTTGTGTGTTTCTTCTATTAAAGACTTTTATGAGTTGGTGCAACACAACAGGCACTGTTAT  
CTTCTTCTATTATTGGTTTGAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAACTAATGAAAAATTAAGAGATTGGAAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5989 AY077642|Cucumis melo galactinol synthase (GAS1) gene, complete cds

TTTGGTTGTATTGTGGAGAGTTACTCCATGTCTTCTCACAGAAGCAATCCATCACTGCGTAGAAGTATCCACTT  
GGCATTTCAAACAAATGGTCTATGTTTTCGAACACTTGGATGTCTGGTAGCAGGACTATCAGTTCTCGTACTC  
CACAAACTCCCAGATCCTGAGCTTTGAATAGTTGATAACATAGTAAGCCATGGCAAACCTGGGTCTGGTTTTCC

GGAGGGTAAACAGGTTCGATCTCACTGACGACACAACCCTGATACTCGAGGATTTGGCGATGATCTTCAGGA  
ACATCAGGAAGGACAGCGACAATGAGAGGGTAGGCGGCTTTGACCTTTCTGAGACCTTTGCCAATCCAAC  
ACACCTTTCCAGTAGTCACCATTACCAGCTAAGAACGTCACGTACGCCCTCTGGGAGCGTCAGTTGACTCAAT  
GGCACTTTCT

>trans\_c\_5990 DQ768221|Fragaria x ananassa inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

TGGGCTGTGAGGGCTCTCAGCCACATGGATAGTTCAATGTGCTCATCAGCGCCTGACCCTGAGATGTGGATCA  
TCCAAGGCACATTAGCATGGCGTACTTCTCCTGTTTGAACCGGGGTTTGAAACCAAACCTCTCCTCAGGAGGAT  
AGATGGGGCGATTAGGTGAGATCCAATGTAGATCCAACCTTCTATTCACTCGTGGGATCCGGGCGGTCCGG  
GGGGGACCACCTCGGCTCCTCTCTTCTCGAGAATCCATACATCCCTTATCAGTATATGGACAGCTATCTCTCGA  
GCACAGGTTTAGGTTGCGCCTCAATGGGAAAATAAAACGGAGCACCTAACACGTATCTTCACAGACCAAGA  
ACTACGAGCCGGCGACTCATAGGCAGTGGCTTGGTTAAGGGAACCCACCGGAGCCGTAGCGAAAGCGAGTC  
TTCATGGGGC

>trans\_c\_5991 X57163|T.aestivum nad4 mRNA for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

TATAGCATTTCTAATTTGTTCAATTTCTAATGATCGCCGTGTTCTGCATGCTGGATCTTCTACTATTCTATGTTTTT  
TCGAAAGCGTGCTAATTGACTCTACCATTATTATAGGGGTATGGGGTTCGAGACAAAGAAAGATCAAGGCAG  
CATATCAGTTTTTCTTTATACTTTACTGGGATCCGTTTTGATGCTATTAGCTATTCTGTTGATTCTTCTCAAAC  
AGGAACCACCGATTTACAAATCTTATTAACCACAGAATTTAGTGAGCGGCGCCAAATCTTCTATGGATTGCTT  
TTTTCGCCTCTTCGCCGTCAAAGTGCCTATGGTACCAGTTCATATTTGGTTACCCGAAGCTCAGTTAGAGGCA  
CCTACGGCAGGATCTGTCATCTTGGCAGGAATTCTTTTAAATTGGGAACCTACAAACCCCGGAAAAAAA

>trans\_c\_5992 AF008955|Corallocarpus bainesii 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

AAAGACGGGATAGTTGAAAGCGATGGTAGGATCACCGCCTACTATGGTGGTGACGGGTGACGGAGAATTAG  
GGTTCGATTCCGGTGTCTGTGTCTGAGAAACGGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTACC  
CAATCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCCGCCACATACCAAATCAGGATGACTCAACAATTGGAATGAG  
TACAATCTAAATCCCTTAACGAGGATCAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCAGCCGCGGTAATTCCAGCTC  
CAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGACCTTGTTGGTGGTCACGATGTCCGCCT  
ATGGTGAGCACCGGTCGGCTCGTCCCTTCTGCCGGCGATGCGCTCCTGGCCTTAAGTGGCCGGGTCGTATCTC  
CGGCGCTACG

>trans\_c\_5993 EU850689|Kunzea ambigua voucher AK285704 external transcribed spacer and 18S  
ribosomal RNA gene, partial sequence

AATTCATTTTATTCATCGTTTTCGTTCTTTAGGGCCTTCTTCCACGGCGAAAGCTTCGTGTTCTGATCTCTTCTC  
GTGGCTTCTTCTTCTCATGTACTGTGTTTCTTTGTTTGTAGTTGTGCTGATTATGAACCATATGACGAATCTGG  
ATTCAAATTCTCACGACGGTCGTCTGAGACGCATTACGTGTCGCAACTGATGCAATGATCCATTTTTCTGATG  
GTCTACGACGATGTCTTCTGTTTTTGAATTTTTCTTCTCTTACAACTTATTACAATTTTCGATTTTCTTACGGTTT  
GTGATTGTTGGAAGCATAGTGATGATGATTTAAACATGTCCGATCAATTTATGACTGGAATATCAACGAGGGG  
GAGTTACTCCCTGTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATGCAC

>trans\_c\_5994 NM\_103237|Arabidopsis thaliana diene lactone hydrolase family protein  
(AT1G35420) mRNA, complete cds



AACAGGGTGTAGTGACCACAGGTGTCCAGTGAGTGTTCATGAAGGATTTGGAGAAAGGGATGGGAGAAGGTT  
CCAAGTTAGTGATATTTGAAGGAAGAGGCCATGGCTTTGTTCAACAATCCTGGATCTCCAGAAGAAGATGATGA  
TGCTGAACAGGCTTTTCTAATGCTTAGAAATTGGCTACATCACGGCTTGATTGCAACTAATAATTTAGCTAACT  
GCCATGGGTAATATAGTAATAAATGAAATCAATCTGATTCTTGTCCTGTTACTTCGATTCCAAAATGCCGAAG  
GCCAGGGGGATGCCGCACTTTACGCAATTCAGCAATGCGATGAAGTCATTAATAAACACATACTTTCAATTG  
GTGGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAA

>trans\_c\_5995 NM\_001055359|Oryza sativa Japonica Group Os03g0126300 (Os03g0126300)  
mRNA, complete cds

ACCTATCCGGATCACTAAACTTGACCACATTTCCGAGAGATGTATCATATTCCTCCGTTGGAAAATTGACGAGG  
GCCACTGGTGAGGTGAGCTTCCGAGGGTTGAGAACGAAGATAAAGAGGAAGAGGAGGGAGACGTATTTCA  
AGTCTTGACCGCAGTAACAAGCGACTACAATGACATTATAATTGTAGACACTCCCAAATCCAGAATGTTGCTTC  
TCGATTCTTCTCGTACCTCTGCTCCTGCTCTTCCTTATCCTCAATTTTTTTCTTCTTCAAAGGGGAATTCAGAC  
CTTCTAAACTATGCCCCACATTGTTGACGCAGATAATGTCCACAGCATTCTTTATAAGGAGCAGATGTGGACA  
GGTCTTATTGGGTCAGTAACTCGGTCTCTTCGCCGAACCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_5996 Novel Gene

AGAGAGAGAGAGATGGGAAATTTGGTGGGAAAGAGAAAATTGGTACATCCAATTGAGGGGTATGAAGGATT  
GAGATCAAGTTCAAGGCCTTTGAGAATCAAAGTAGTGACTAGAAAGCAGCTGAAGAAGCTCATGGCTAT  
GGCTGACGATCTCACAATAAATCATGATTTAGGCACCTTGATCTTCCAAGAATGTTGCCAAGGTAAATTGGAT  
ACTCGTGTTCTTACTTGTGTTTGAAGGATTTAGGCTTGAGGAAGATTTGAATTTCTAGCATATCTCTTAGTCTT  
AGTTGTGAGTATATATGTTTCAATAAGTTGAATGGTACTGTTATAAGTTATTGTTTTTGTGAAGACTTTAATTA  
TGACTTGTATCAATATGGCTCATGAGCTGAGAGTTAGAGATTATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAA

>trans\_c\_5997 NM\_001069841|Oryza sativa Japonica Group Os09g0446000 (Os09g0446000)  
mRNA, complete cds

TGCATTTTGAGGAAGAAAATCATAGAACAGCAAAATTGAGATCAAAGGAGCGTTGAGGACTTGAAGGAGGT  
GAGGTGAGGTGAGGATGCAAGCTTCAGAGCTTTCGACTCCATCGAATACTTTGGAATGCAAGGACAGGCCCC  
AAAAGCCCCCTTTAGGCCTGCTAAAGATGACACCAAGCTTCTTCTCCAAGATCCGATACGGAGGTGAGATCC  
AATTGAGACTGAGGAAGCCGTGCTCCGACCACCTCTTTCATTTCTCTCTCCCAAATCTAAGAACCCTTCTCA  
AATGGGGTGACAGAAAATGTTGATTTCTTCTTATCTTGGTTTTATGTCTGTTCTTGTTGATCGCCTTCTGGAATA  
TCGAATATTTAATGAAAATAGAAACCCGTTTGGTTTTTAAACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
A

>trans\_c\_5998 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

GTTAAGGGCATCAACTGCCCTAGCAGCGTCATCGGCATTTTCAAATTAACAAATCCAAAGCATCTTGATTTAC  
CATCAGCATCCCTCATCACAACAATACTCGTGAGTGTCCCAAATTCAGAAAAAGCTTTGTTCAAATCCTCTTCA  
GTAGTAGTCTCAGAAAGATTTTTACAAATACATTGTTAAATTTGGATTTGTCAACAACACCATCTCTTTCTTGT  
TTACGAAGAAAAGTCTACATAAACTTGCTTATCATTCAACAGCATACCGTTCAGCTTCTCAATAGCTTTCTGA  
GCAGACTCCTCATTGTCAAATTGCACAAAACCATAGCCTTTTACTGGCCAGAGGAATCTAAAGCCACTTTGCA  
AGACAGGATACTACCAAATGCAGAAAATGTATCATGTAGAGCTTTGTGGTCAATTGCCTTGTTTAAAT

>trans\_c\_5999 XM\_002329156|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb5 (Lhcb5), mRNA

AGACCAGGCAGCAATCTTGAAGGTGAAAGAGATCAAGAATGGAAGATTGGCAATGTTTGCAATGCTAGGGTT  
 TTA CT TCCAAGCATATGTGACAGGAGAAGGGCCAGTGGAGAATTTGGCAAAGCATTGAGTGATCCTTTTGA  
 AACAATTTGCTCACAGTCATTTAGGGAATGCTGAAAGAGTTCCAACCTTTAAATCAATGAATGAATCAATCA  
 ATCAATGCATTCAATTTAAAAAGCCACATCCCAATCACAAAGTTTGTGTATTGAAGGATGAAAAATCTTGAATGC  
 TTTTGTAAATTGGTATTGAGACTATTTGTAGCCCCTGACTACTCAACTCTTGCATTTGAAAGAGATATGAACAA  
 GGAGTTAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
 AAA

>trans\_c\_6000 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

ACACAAGAATCCTTAGTTAGAATGGGATTCCAACCTCAGTACCTTTTGAGATTTTGAGAAGAGTTGCTCTTTGGA  
GAGCACAGTACGATGAAAGTTGTAAGCTGTGTTCCGGGGGGGAGTTATTGTCTATCGTTGGCCTCTATGGTAG  
AATCAGTCGGGGGCCCTTCGAGGCGGTGGTTTACCCTGTGGCGGATGTCAGCGGTTTCGAGTCCGCTTATCTCCA  
ACTCGTGAACCTTAGCCGATACAAAGCTATATGATAGCACTCCATTTTTCCGATTCGGCAGTTTCGATCTATGATT  
CTCATTCATGGACGTTGATAAGATCCTTCCATTTAGCAGCACCTTAGGATGGCATAGCCTTAAAGTTAAGGGC  
GAGGTTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAGGCACCCAGAGACGAGGAAGGGCGTAGTAAGCGA  
CG

>trans\_c\_6001 AY775030|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 19 (ACRE19) mRNA, partial cds

CCCCTTGCCGAATTCGGCACGAGGAGCTGTGCAGTGGATTCAATCTTCTGATGGATAGAGAGAAGGGAGTGA  
TTGATTTTGAGAGCCTGAAGAGGAACGCGGCGGCGCTAGGGCTGGCGGATCTAAGCGATGAGGATCTGAGA  
TCAATGTTGAGGGAAGGGGATTTTGATGGTGATGGTGCTCTTAATCAGATGGAGTTTGTGTTCTTATGTTTA  
GATTGAGCCCTGAATTGATGGATGAATCCTGGTTCTTGCTTGAGGAAGCTCTACATCAAGAATTCAAGGATTTT  
TGTTGATTTCTTTTTCTTCTTCTTTCTTTCTTTTATCTTTTTTTTTCTTTTAATTAATTACTGATTTTCTT  
AACTTACTGAATTTACTTGGAATAAAATTAAAGTAAATTAATACTTTTTACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

```
>trans c 6002 Novel Gene
```

AGTAGTCCGAATACGGCTGTGGGTATAACGATTGTGGATGTTCCGGCGGGAAAGGCTATGCTCGGGCGTGTG  
GTCGACGCCTTGGGAGCACCCATTGATGGAAGAGGGGCTCTCAGCGATCACGAGCGAAGACGTGTCTGAAGT  
GAAAGCCCCTGGGATTATTGAACGTAAATCAGTGCACGAGCCTATGCAAACAGGGTTAAAAGCGGTGGATAG  
CCTGGTTCCTATAGGCCGGGGCCAACGAGAACTGATAATCGGGGACCGACAACTGGAAAACTGCTATAGC  
TATCGATACCATATTAAACCAAAGCAAATGAACGAAAGGGCCACCTCTGGGAGTGGGAGTGAAACATTGTA  
TTGTGTCTGTACGTATCGTGGACACTTTGCCAGTCAAACGTGGCACAATTAGGGACCCGGAGTGCAGGGAAA  
AATGCCAA

```
>trans c 6003 Novel Gene
```

GCAGTGATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAAAAGAGTTCGGATTATAAGTT  
TTTAAGTGGATCCATACTTTCAACACGAAAGAACATAGACATAGTGGTTGTCCAATGAGATACTACGCATAAT  
AATATACTACCTCATAATAAGATAGTACCTCGGGGTAGCCACCCACATATTACGTGCTTACCACTTCTTTTATT

ATTATTATTAGTATTTTAGTTATTTTCAAAATAGGATTTTTCTTGTTTTAGGGAACTCATTTCATATCATGCTTC  
AAACGTTACCGCCAAATGGGGTTTGCTAATTCTTTTCGAAATCCGAAGATAAAAAGTTCCCATGGAACCGAAC  
TCCTGGATCATCTGTCAACTGCTCAATCAATTACTTCTTCGAATGCTAACGAAACGCCTGCAAACCCCC

>trans\_c\_6004 XM\_002298197|Populus trichocarpa aquaporin, MIP family, TIP subfamily, mRNA

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGACAGAAAAGAATGAGTGATGATATTAGCTTTAATTGTAATTGTTTGT  
AATGTCTATATAAGAAGAACAAGAAGAAGAAGAGAGAAAGGTGAAAGAGTTCATAAGGATCAAAGATCAA  
GAAATATATATGGCGTGGTTCACCATTGGAAGCTTTCAAGATTCCTTGAGCTTGCGCTCTTTTAAGGCTTATCT  
TGCTGAGTTCATCTCCACCTTACTCTTCGTTTTCGCCGGTGTCGGCTCCGCCATTGCATATAGTCAGTTCCCTCCTT  
TTCCATCTTTTAGAACTCTCCGTAGTCTATTCTCCATAGTCTATTTATTTAAGGTTAATGTATGCAGATAAAATAA  
CATCATCTGGAGCTTTAGATCCAGCAGGGCTGGTTGGGGTGGCAGTTTGCCATGGATTTGCTCT

>trans\_c\_6005 NM\_127306|Arabidopsis thaliana IRE1A; endoribonuclease/ kinase (IRE1A) mRNA,  
complete cds

TACAGAGAACTACCCAAAGAAATTCAGGAGCTCATTGGATCTGTTCTGAGGGTTTTGATAACTACTTTGCTAG  
TCGGTTTCCAAGGCTCTTGACCGAAGTATACAGAGTTATTAGCCAATATTGCAGGGAAGAGGAAGGGTTTCG  
GAAGTACTTCAAAAGCCATGTCGAGTAGACTAGCTTGATACTAATTCATCAGTGTATTATTATTAGGAATCCA  
GATAAATGATGCAATATTTAATTCGCCTGACGTATTAGAATACAATGTTGATGTATCTATCACATAGAGTGCA  
TACACACAATTGTAAATATTGTTGGGACAAAACACAAATATTTGTAAAGCCTTGTAACATTAAAGCATCCTCAA  
GTTTACAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6006 NM\_001067179|Oryza sativa Japonica Group Os07g0680300 (Os07g0680300)  
mRNA, complete cds

AATTGGGAGAGAAAAATGGCAGGTGAATCGTCTTTGTTCAAGTTCTTGAGCCCAGGACGCCGTTTCCAATCTA  
CGGACATCCAGGCCGCCGCCGGCTGGGGTGTGCGCGCCGCCACAATGCTCTCTGGGTCAATTCAGCCATTGGA  
CTGGATCAAGAAAACGTTCTTCGAGAAGCCACAAGAGAAATGAATTGTTATTTTGAAGAAGACTCACCCAGTT  
TTTGTTAATAAGTATCAGTTGATTGCTTTGCCGCAAATGGGTAACTGCAGAGTTCTTTGGAATAACATGTTTT  
GTAATAGAATCTCTTTGACTAAAATTGAGTTCTTCCGTTTGAAATTTTATTGATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6007 X62457|A.thaliana gene for Histone H1-1flk (partial)

AAATTTGCAAAGGCTTTTCCACATATTGCGAACTTGTTGATAATGCCAGGCTCTATTCCACCAATGTATTGGG  
GAAATCACGCAAATCTTGATTGGGTGGAAAGATAAAGATAAAAAGTTATTGCTATATCCAGCAATAAATCAAA  
TGTGTTTCAGTGATAAGTAAGTTGAATGATAATGCAAATTCAGTATATGAGCTTTACCAAGATGCAACTAACGT  
TTAAATGAAAAGAGTTCTATATGGAAAGAACTGTTTTGTCATCTTCAAGGCCCTCTGTTGAGATGGAGTTGA  
AGGCTTCTATACAAAGCATTGAATCAAATAGGCAATGGAAATGCTACATTTCTTTGGTTTAAGAGGTTTGA  
GATGAACTTTTCAATGGCGTTGATGCTGCATGCGCCGAGCATGTATTAGTTTAAAGTTATTGTCTCG

>trans\_c\_6008 AY017728|Oryza sativa microsatellite MRG0053 containing (AC)X17, closest to  
marker G1318, genomic sequence

ACCATTTTCAAAAAAAGAAAAGAAAAGAAAACAAAGAGAAACCCATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAGTCCT  
CAACTTTCAAGGATTTTTTTCATCAAATGGAAGCAGCAACAAGTTTCTAATGATAACAATGATGGTGGTTGTT  
GTAATGGTCAATTCATCATCATCCGCCATTGGTGCAGCTCAAGAAGCTCCAGCTCCAAGCCAGCTTCTGATGC

>trans\_c\_6009 GQ377426|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription factor 6 mRNA, complete cds

>trans\_c\_6010 AF036386|Brassica rapa cytochrome c oxidase subunit II (cox2) gene, complete cds

>trans\_c\_6011 EU002429|Liquidambar styraciflua photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB), photosystem II protein T (psbT), photosystem II protein N (psbN), and photosystem II phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

>trans\_c\_6012 NM\_117095|Arabidopsis thaliana wound-responsive family protein (AT4G10270)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_6013 BT011498|Arabidopsis thaliana At5g04080 mRNA, complete cds

GGAGATTGGAGAGAATTAATCATTCTTTGAAACAGAATACGAAGTAGTGAACCTCAGGACCACTGATCTGTT  
GTTCTGCCGATGGCACATGAAGACGCAAGAAAAACAAGTGCTGCCATGTACCTGATGCTCCAGACCAACCTC

AGCCTCTGCCATCAGGAACAAAGAGTTTTCGATGCCACGTACACAAAAGAAAGGGAACAAAAGCTTCCTTGA  
AGGATGCATCTTTGCTTTGTGCTGTTGTTGGATTTGTGATGCTTGCTTTGATGTTAGTGTAACATGATAAA  
CATCAGCAACTGCAGGATTTACACCAGATGCGTAACCAACAGCCAACTATATAGAATTTTTACTATGAAGGCA  
TGACTGAATTATGTATCCATGTGATCCTATCACAATCTGAATAATTGCTAAATACCTTTTCTCTTA

>trans\_c\_6014 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

CGGTAGTTCGATTTAGGGATAAACGGTGAACCTCGGAAAACAGTAGTAGAGAAGTAGGAGTCTGGGCCGTG  
TCTCAGTCCCAGTGTGGCTGATCATCCTCTCGGACCAGCTACTGATCATTGGCTTGGTCAGCCTTTACCTGACC  
AACGACCTAATACTACGCAGGCTCATCAACAGCGCTTTTTAGCTTTCTCAGGATTTGGCCCGTTGACAAGCG  
CAGATTTCCACGCGTTACGCACCCGTTGCCACTTTGTTCTCAACTCTTCCACCTTGAAAGGCGAGACAAAGC  
GTTGAGCAGAGGTTCTTCTGCCTAGCTCCCCGAAAACAACGTTTCGACTTGCATGTGTTAAGCATATAGCTAGC  
GTTCTTCTGAGCCAGGATCAAACCTCACATTTAGAGTATGATTCCCCTTCTGCATACATCACTTC

>trans\_c\_6015 AY105517|Zea mays PCO134389 mRNA sequence

AAAGCTCGAGAGGTTTTCAACGTCAGAGAGAAAAATGGCAGGATGGAGATGGCTGGAAGCGGCACTTCCTCT  
CGGAATTATCGCCGGAATGCTTTGTGTAATGGGTAATGCTCAATATTACATTCACAAAGCCGCCCATGGCCGG  
CCCAAGCACATCGGTAATGATATGTGGGACGTTGCCATGGAACGCCGGGACAAGAACTCGTCGAGAATTTA  
TCCGCCACTTCTCATAGTTGATTTATTTTCGACCTGCATCCCGTCCCTCGGTACAGGAGCTGTGGATGCACTCTT  
GATGAAGGAATAAAAGCTCTTGTTGCAGAATGCAGATATCTATGCAATGATGATCACTGCCATGTATTGTCAA  
TTTTCTTCGTTGTTTCTATGTTGATCTGAACATATGCAAGATTCATCTTCGAGAATTACTTCTTTAT

>trans\_c\_6016 AF384476|Helianthus annuus NADH dehydrogenase subunit 4 (ndhD) gene, partial  
cds; chloroplast gene for chloroplast product

CATATGAGAGACGGAGGAATAAGCTATTCTTTTTTTAAATTGCGTTGACCCAAAGATGTTAAAGCTGCATAG  
ATTATTTGAATTATGCCTAATATGATCAACCAGGGTGAAGAGATAGAATGGGCGTGGGGTAATAATTCCATAT  
TGATCCGAACCAATCCATATGCTCCCATTTTTAATAAGATTCCGGCTAGAAGCATACAAGTACTGTAATGTGCC  
TCTCCGTGGGTATCTGGTAACCATGTATGTAAGGGTATAATCGGTAATTTGACAGCAAAAGCAATAAGAAATC  
CGATATAGAATAGTATTTCTAGTGCTATAGGATACGATTGATTAGCTGATGTTTCAAAATTTAAAGTTGGTTCA  
TTAGAACCATATAAACCGATACCCAGAACTCCCATTAACAAAAAATGGAACCTCCCGCAGTGT

>trans\_c\_6017 Novel Gene

TTGGAGCACATAGAGCTAACGGACTATGGTTGCATCAATTGAAATTGTTTCGGTTTCAAAGGAGCTTCGAGTAA  
AACAGAAAACAGAGAATAGGGCAAATATCATAAATCGACTACGAAGCTCACATCGAAAAAGCAACAAACAAT  
ACGAAACAAGTATGTTGTCTTTCATCTCTATGTCTGCTTTCAAATCTCAATTGTAATGGTTGGAACGTGCTATAA  
TATAGTATTGTTGGATTGGATTGGATTGGATTTAGGCAAATGCAGGGTCTGTATATGATGTTATAGTGTGTTT  
GGTGATATGATGGTACATAATATTCATTCTTCTACTGCTGAGTTCAATGTCACTCAATAGTTTAAACAGTGAATC  
AATGTATACAATTCCCATCATTTTTTTCTTTCAATTTACATTATTCAACCTCTGTTGGCTTC

>trans\_c\_6018 EU494949|Actinidia deliciosa xyloglucan endotransglucosylase/hydrolase 4 mRNA,  
complete cds

TTCCCCTCTCTGTTCTAAAACCTCTCTCCCATGGCTTCCTCTCTACTTCTACCATTATCGCTTTCTCTTCTACTCCTT  
GCTTTTGCTTCTTCTTCTTCTTCTAAGTTTGATGATCTTTTTCAACCAAGTTGGGCTCTAGATCACTTCAATTA  
CAATGGAGATACCCTTCAACTTAACTTGACAATTACTCCGGAGCTGGGTTTTTCATCTAAATCAAAATACATGT

TTGGGAAAGTCACCATTCAAATTAAGCTTATTGCTGGAGACTCTGCTGGAACTGTCACAGCATATTATATGTCA  
TCTGATGGTCCAAGTCATAATGAGTTTGATTTTGAGTTTCTGGGTAATACAAGTGGAGAGCCATATACTGTACA  
GACCAATATTTATGTGAATGGAGTGGGAAATAGAGCGTCAACAGTCAACTCAG

>trans\_c\_6019 X14018|Spinach psaE mRNA for subunit III precursor of photosystem I reaction  
centre

TGGTCCCAAAAGAGGTGCCAAGGTGAAGATTTTAAGGAAAGAATCTTACTGGTACAAGGATGTTGGATCTGT  
TGTAACAGTTGACCAGGATCCCAACTCGATATCCAGTTGTGGTTAGATTTAACAAAGTAAATTATGCAAGT  
GTATCAACAAACAACTATGCACTTGATGAGATTGAAGAAGTTGCTTAAGCTTTTTAGTTTGCTTGTGTATTTT  
GAGTTAAAAATGTTTGTATAATACTCCAATTTCAATCTATTTCTCCCTCTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6020 GQ998325|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 photosystem II protein  
D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

CTTCGACGTGCCTACCTCTGAGAAACGAAGTCATAGGCACGTAGGTTTCAGGGCCAGACCAACTACTCCAAGA  
GCACTCATCCATAAACCAGTTACTGGTACAAATAACATAAAGAAATGTAACCAACGTTTATTGGAAAAAGCAA  
CCCCAAAGATTTGGGACCAAAAGCGGTTAGCAGTGACCATTGAATAAGTTTCTTCAGCTTGAGTTGGGTAAA  
AGCACGGAATGTATTTGCACCATCCCCATCTCAAATAAGGTATTTTCTACGGTAGCACCATGAATAGCGCATA  
GCAGAGCAGCGCCAATACACCCGCAACTCCCATCATATGAAATGGGTTCAATGTCCTGAATCTCCATGTTGT  
GTTGCCGACAGCGCACGGTAGCTTCGCGCCACTGGCTTTCAACCAAGCGCAATGACCAATTGTG

>trans\_c\_6021 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

CCAAGAGCTCTTATTGACGGAGTCGTTTGGCACCTCGATGTCGACTCATCACATCCTGGGGTTGAAGAAGGTC  
CCAAGGGTTCGGTTGTTGCGCGATGAAAGTGGTACGTGAGTTGGGTTTAGAACGTCGTGAGACAGTTGCGTT  
CCTATCTACCGTTGGTGTGAAAGGGAGAAGTGCAGAGGAGCTGGTTTCGACGTAGAGAAGTCAAGTTGGGCCA  
ACCTATGGTGTACCGTTGTTATGCCAATAGCAGCGCCGGGCAGCTAAGTTGGTATGGAAGAACCGCTGCGC  
CGCGGGAAATCCTTCTCTATACAAGTTCTCGACGAGGTTTTTGAACATCACTTCGATAGGCGAGAGGTGTAA  
GCACCGCGAGGTGTTGAGCGATCTCGTACTAAACGAAAGGACTTGCACTTTCCCATAACCAAATG

>trans\_c\_6022 NM\_001063476|Oryza sativa Japonica Group Os06g0172600 (Os06g0172600)  
mRNA, complete cds

TTTGCCAATTTGCGTTCTTAGTTTCTAGCGGACGAAGCGAACGAGCCGTCGACCGCCATCCAGAAAGGAAGA  
AGTCGCTTATCAGATTCGCCATGGGTAAGGTTTCATGGATCTTTGGCTCGTGCCGGTAAGGTGAGAGGCCAGA  
CACCAAAGGTTGCTAAACAAGATAAGAAGAAGAAGCCACGAGGACGTGCTCACAACGGATGCAATACAACC  
GCAGATTCGTAAGTGGCGTTGTTGGTTTCGGCAAGAAGAGAGGACCAAACCTCGTCCGAGAAGTAAGACACTC  
GAGAATTCGGCTAAACAGCCATTTTTTCATGTTATTTGGAGATATTTTATACTTCCGTTAGTTTCTTATTGATGT  
GGTTAAGCTGACATTTTATCTGGATGATGATAGTATTTTTTTCTTTGAGGAGTTTTCTGTTTCAT

>trans\_c\_6023 XM\_002881689|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat repeat-containing protein,  
mRNA

ATTGTCATCCCAAATGGTCGATGAACAGGTCTATCCCCATATTGCCACCGGGTTCTCTGACACATCTGCTTTTCT  
TCGTGAATTGACTCTAAAATCCATGCTTGTTCTAGCTCCCAAGCTTTCTCAACGCACTATTTCTGGGTCATTATT

GAAGCATCTTTCGAAGTTACAGGTTGACGAAGAACCAGCAATCCGAACGAATACGACTATATTACTTGGGAAC  
ATTGCAAGTTACTTAAATGAAGGGACAAGGAAGAGAGTTTTAATTAATGCCTTCACTGTCCGTGCACTGCGTG  
ATACATTTTCCCCAGCCCGTGGTGCAAGGCATAATGGCATTATGTGCTACAAGTGGATATTATGACAGTACAGA  
AATTGCAACTAGGATTCTCCCTAATGGTGTGTGCTTACCATAAATCCTGACAGTGATG

>trans\_c\_6024 NM\_101122|Arabidopsis thaliana phosphate translocator-related (AT1G12500)  
mRNA, complete cds

CTCCTGGCACCTTTCCAACATCGTTTTCTCCTTCTCAACAAGTACCTCCTCAGCTTCTATGGCTTCCGAGTCCCC  
AGCTTCCTTACCATGCTCCACATGATTTCTGTACATTCTACAGCTACCTCTCTATTCTTCTCCTCAAAATCGTAC  
CCACCCAGCAAATCCAATCTCGTACCCAATTTCTTAAAATCCTCGCTCTTAGCGCCATTTTCTGTTTCTCCGTAGT  
CTGCGGCAACACTTCTCTTCGTTATCTACCGGTTTCCTCAATCAAGCCATCGGCGCAACTACCCCTTTCTTCAC  
TGCCATTTTTCGTTTTCTGATTACTTGTAAAGAGGGAGCCTGCCGGGGTTTATTTAGCGCTTTTGCCTGTGGTGT  
TTGGGATCGTTTTAGCTAGCAATAGCGAACCTTTGTTTCACTTTCTTGGG

>trans\_c\_6025 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

TGGGTTACAAGATCGTGATCAGACGACACATCCTGGGGTTGAAGAAGGTCCCAAGGGTTCGGTTGTTGCGCG  
ATGAAAGTGGTACGTGAGTTGGGTTTAGAACGTCGTGAGACAGTTCGGTTCCTATCTACCGTTGGTGTGAAA  
GGGAGAACTGCGAGGAGCCAACCCTAGTACGAGAGGACTGGACCAAATTGGTTCATGTGTACCCGGTTGTTA  
TGCCAATAGCAGCGCCGGGCAGCTAAGTTGGTATGGAAGAACCGCTGCGCCGCGGGAAAATCCTTCTCTATAC  
AAGTTCTCGGACGAGGTTTTTGAACATCACTTCGATAGGCGAGAGGTGTAAGCACCGCGAGGTGTTTACGCGA  
TCTCGTACTAAACGAAAGGACTTGCACTTTCCCCATAACCAAATGGGGAGGGACTTTGGATAAGG

>trans\_c\_6026 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AAATAACTTCACTGCATTTCTTGGTGTCAAACCAGATTAAAATAGAGAATCTATCCTCTTAAAAAAAAAATGAT  
CTTGAGATTGTGTAATGCTTACTCTCAAATATTTGTTTATACAGTAGTAATATTCTTTGTTTCTCTTTCATTT  
TCGGATTCTATCTAATGACCCGGGACGTAATCCGGGGCGTGAAGAAGAACAGAATCAGATTTTTTTTCTTG  
CTTGATTTTGAATGTTCTTAACATTTTATCTATTCCACATCTTCTCACTATAAAAAAATACCAAGTAATTGA  
CAGAAACGGAAAGAGAGGGATTGCAACCCTCGGTACAAAAAATCGTACAACGGATTAGCAATCCGACGCTT  
TAGTCCACTCAGCCATCTCTCCCAAATTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6027 GQ998717|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 16S ribosomal RNA (rrn16)  
gene, complete sequence; chloroplast

TACGCATTTACCGCTCCACCGGAAATTCCTCTGCCCCTACCGTACTCCAGCTTGGTAGTTTCCACCGCGACA  
GGTCCCAACTCGGGACCCTAAACACGGCGGACTTAAAAAGCCACCTACAGACGCTTTACGCCCAATCATTCCG  
GATAACGCTTGCATCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGATGCTTATTCCCCAGATACCGT  
CATTGCTTCTTCTCCGGGAAAAGAAGTTCACGACCCGTAGGCCTTCTACCTCCACGCGGCATTGCTCCGTCAGG  
CTTTCGCCCATTGCGGAAAATTCCTCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGGCCGTGTCTCAGTCCCAGTGTGG  
CTGATCATCCTCTCAGACCAGCTAGGGATCGTCGCCTAGGTGAGCCATTACCCCA

>trans\_c\_6028 NM\_103905|Arabidopsis thaliana ALATS (ALANYL-TRNA SYNTHETASE); ATP binding /  
alanine-tRNA ligase/ ligase, forming aminoacyl-tRNA and related compounds / nucl> (ALATS) mRNA,  
complete cds

AAGTTCAGAACAAATAATAGTCAATCATCGTTGGCTTGAAGATTGCATCAAACATGGAAAGCTCTCTCTCTCTCTCTCTCACGCACACACACGCAACACCCACCCACAGCCACAGCCACAGTCACTTGCTGCTTGAATGATGGTGTTA  
CTAATAACATTTTCATGATAGTTGATGGCGGAAGAGAGGGGCCTGCTAGTTGATACTCAGGGTTTTAACAAATG  
CTATGGATGAGGCGAGCGAAAAGATCAAGAAGTGCTCAAAAATAAGCAAGCAGGTGGTACAATTGCCATGGAT  
GCTGATGCTACAGCAGCATTGCGCAAACAATCCAAAAGTCTATTAGTTGCAGTTTTAGTTATTGTTCTCTCAAT  
ATATTCTTTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTTTCCAAAGGATGATCAGTGTAAATAATTAA

>trans\_c\_6029 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

GTGTCTAGGTTTTCTTTTTGGAATGGAATATTTACGGAATCCCCATGAATAGGATCAAACCTTATTCCATGG  
TATTTACATGAGATTCCTCTTTCTTATTCTTAAGCAAGTCCCCGAGAGGGCTTGGCTTAGTTGATCCATGATTT  
ATGTTTCGTCTTTCGTTTCGTTTTCGTTTGTTTCGAGAAATATATCGATCAATCCGATTCTTTCTTTTTCTATTGA  
TTCTTTCCGATCGAGATGTATGGATCCATGGGCCTATGTGTCTATATAGATCCTGTTTCATGGATTAACGAAAA  
TGTGCAAAAGCTCTATTTGCCTCTGCCATTCTATGAGTCTTTCCTTTTTACGTATGGCATCGCCACTCCCTTGG  
CAGCATCCACTAATTCGGAACCCCCCTGGGAGTATGGCATGGGTTACT

>trans\_c\_6030 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

GGGGAACATACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCCAAGTCGTTACCTTAACCGCAAGGA  
GGGGGATGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAGTCGTAACAAGGTAGCCGTACTGGAAGGTGCGG  
CTGGATCACCTCTTTAGGGGTTATTACTTCCTTGGTAGCTCAACACATGTACGCTTTACCTGCTTATGCGTTCA  
TAGCACAAGACTTTACTACTCAAGCTGCGTTATATACCATCACCAATACATAGCAGGATTCATTATGACAGGA  
GCTTTTGCTCATGGAGCTATATTTTTTATTAGAGATTACAATCCAGAACAGAATGAGGATAATGTATTGGCAAG  
AATGTTAGACCATAAAGAAGCTATCATATCCATTAAACAACCCGGTCTACCGCTCTG

>trans\_c\_6031 CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

AAAGGAGTCCACCCTTCACCTTGTTCTCCGTCTGAGGGGAGGAATGCAGATCTTCGTTAAGACCTTGACTGGA  
AAGACCATCACTTTGGAGGTGGAGAGTTCTGATACAATCGACAACGTGAAAGCAAAGATCCAAGACAAGGAG  
GGAATCCCACCAGACCAGCAGAGGTTGATCTTCGCTGGAAGCAGCTTGAAGATGGAAGGACTCTGGCTGAC  
TACAACATCCAGAAGGAGTCAACCTTGCAATTTGGTGCTTCGCTCCGGGGTGAATGCAGATTTTTGTGAAGA  
CCTTGACCGGAAAGACCATCACCTTGGAGGTGGAGAGCTCCGACACGATCGATAATGTGAAAGCTAAAATTC  
AGAGTGGAAGGAATGCCTTCTTCCGGATCAGCAGAGGTTGATCTTTGCTGGGAAGCAGCTA

>trans\_c\_6032 NM\_001070857|Oryza sativa Japonica Group Os10g0209700 (Os10g0209700)  
mRNA, complete cds

TCAGGTCATTGTAAAAGGTGTTATGGATCCGGCGAGGTTAGTCGATCATGTATCGAAGAGAAGCAGAAGGCC  
AGCTTCCATCGTAGTGAAGGAGGAAGAAAAGAAGGAAGAGGAGAAGAAGGAAGAGGAAAAACCAGCAGGT  
GAAGAGAAAGCAGAGGAGAAAAAGAACTCAGGAAGAAGAAAAGGAAGAAGATGATAAGAAGTTCGATA  
TAAAAAGGCTCGAGTATTGGCCATCAACCAAATATTACACTGAGTATGCCTATGTCCCAGAAAGACTTTTCAGT  
GATGAGAATCCGAATGCTTGTTCAATAATGTAGACTGCAATTCATTTTGTAGTTTGGCTCAAATTTGCCTTCG  
TTTTGAATCTTCTGAGATAATTTGTAATTGTGTTAATGCATGCAAGGTTAATGGTTAAAAAA

>trans\_c\_6033 M75719|Alnus incana chloroplast 23S rRNA, 4.5S rRNA, 5S rRNA, tRNA-Arg, and  
tRNA-Asn genes



CAACCCGAATCAGCATATTTTTTTGTTTTACGCCCCGTAATTCTTCCTCAGCCAGGCTCGGGCAGAATAGCAGA  
GCAAGTACAAGTATTAGTAGAATAGCAAAAATGTGTTCTCGTCATTAATATGTTTGCTCGCGGTAATTGTGAC  
CTCTCGGGAGAATCGATGACTGCATCAAGATGCCTTGCTAGTACTAGTACATCTGAGAATTCTTAATTGTCT  
AGTTGTAAATAGACCCAGACTGTGGAACAAAGGATTATCCCGGACCTACACCGAGGTATTGACGGTGATTCTC  
AAATATCGCAGAACAGAATTTGATACGATGAGATAGAATGCAATAGAAACAAAGACACAGGGAACGGGTAC  
CTACTCTTAACGGTCAAAGCGAACCCTTTCATTCCCAAAAAGTCCAACAGCCCTG

>trans\_c\_6034 FJ455446|Nicotiana tabacum NTHK1-interacting protein 2 mRNA, complete cds

AGTCACTCTCCAAAACCTGGATGGAAAGACTCCCATCGATGTTGCCAAGCTAAACAACCAACATGAGGTGCTA  
AAATTGCTCGAGAAGGATGTTTTCTGTAAATGTTGATGACACTGGAAATACTTTGTGTCACAATTCGCTCACA  
CCACAGGCGTTCAGTGTTGTGATTATCTACGTTGAAAAAGTTAATCAACTTAAATTAAGTAATGCGATTTTC  
ATTAGAATGCTATATAGTGAGACAAAATCCTTCTTATTATGAGGTGTGCTGTGTGAGCCTTTGTTATTTGCAT  
TGTGCCTGAGATACTGTACTGTGTTGCTACTTGGCAAAAGAGTGTCTGTGCTCACCACATTGCTTGTTTTAA  
ATAATATTCAAATTCAAATTTGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6035 EU002403|Datisca cannabina photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB)  
gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes,  
complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

ATCCATATGACCCAGAGTTGGACGCTCAAGTAGAATTTGGGGCATTCCAAAACCTGGAGATCCAACTACAAA  
AAGAGTCTAGTCTGATACAAGATTGCTCTGTTCTTTTTCTTTATTTTTGATTTGACATAGATAGGGTACCG  
GATAAATCTTTATTCGGATTGCTTACTTTTCATTTCTTGACTCTTGCTTGGTCTTTTTTTATCCGTAAAAAGAT  
CCCAATTAACAGGTATGGAAGCTATAATTGTAAACCGAAATCAAATCTATGGAAGCATTGGTTTATACATTCC  
TCTTAGTCTCGACTCTAGGAATAATTTTTTCGCTATCTTTTTCGCGAACC GCCTAAAGTTCCAACCTCCAATAA  
AAAGGCAAAATGATTTCTCATTATCTCAATTGAAGTAAAAAAGTT

>trans\_c\_6036 D38019|Beta vulgaris subsp. vulgaris chloroplast genes for Pro-tRNA, Trp-tRNA,  
cytochrome b6/f complex subunit 5, PSII cytochrome b559 subunit, PSII L protein and PSII  
component

AACAGGGGTCAAGGTCGGCACGTGAGACAGCCAAAATGAGCTGTGCTGTCCTATTACTTTGGCTGGATTATT  
TGTGACCGCATATTTACAATACAGACGGGGGGATCAGTTGGACCTTTGATTAATTAACAGTTCTTTTTTTTTGA  
TTGACCCCTACTTGCTTTATAGGAGGTAAATTTTGATTTCTGTTGAATTATTTAGTATCATTTTGATTTAACA  
ACAACAAGAATCGAATCACGCTCTATAGGATTTGAACCTACGACATCGGGTTTTGGAGACCCGCGTTCTACCG  
AACTGAAC TAAGAGCGTTTTATTATCAAATAAAAGCAACCCGAATATATCTTCGATACATATATTATCATAGA  
GAATATCATAAAATTAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6037 DQ125945|Populus tremula x Populus alba glutamate decarboxylase mRNA,  
complete cds

GGTTTGGATGGATTGTGCCAGCTTACACGATGCCACCAGATGCTCAGCATATCGCAGTGCTGCGAGTGGTGAT  
TAGAGAGGACTTCAGCCGCAGTTTGGCGGAGAGACTGATCTCGGACATTGACAAAGTCTGAAGGAAGTCGA  
GGCGCTGCCGATACGGGTGTCTTTGGCAGAAAGTGAAAGCTGGAGTTGAAGATAGTGGGAGAGTTAGAAAGC  
ATGTGAAGAAGAGTGAACGGGAGATTGAGGAGGAAGTAACATACATATTGGAGACGGCTTGTGGATGGGAA  
GAGAACTGGCGCTTGCTAGTGAACCTCTGCCTAATCCAATTCTACTTGGCTGTGGTGGTGTGCTTTTTTTGA  
TTGTCTTTCAGTTTGCTTCTCACGATTGTGCAATCAGTGTGTTGTGACTTTGTGTGCTGT

>trans\_c\_6038 NM\_001051506|Oryza sativa Japonica Group Os01g0876800 (Os01g0876800)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTCCAACAAAAATTAGAGTCAAGTCATTAAGATTATAAGGCAATAAG  
GGAACATACGCATATTGGCATAAGTTTTGGTGATGGATGGACCAAAATTATAGAGATTGGAGACCAAAAACA  
GCCACAACGGGGCATTCTACAGCTGCTACAATATTATGGCAACAAAACCATGTCTACCTATTAAATAACCATC  
TGCCACCCAAGTTTACTGTAGTTCGACAATTCATTTCGGCATCTTCGCTTTTCGACTTTTTCTCTTTTTCTTCTTAC  
CATCTTCGGCAGCGACTTGATCATCCTTGTTTTATCCTTGCTCTTCTTCTTTTTCTTCTTGCTGCTTCTTCCT  
CCCCATTTATGATTTCTGAAGCCTGCTGTTGTTCTCTGTTT

>trans\_c\_6039 NM\_105286|Arabidopsis thaliana TMK1 (TRANSMEMBRANE KINASE 1);  
transmembrane receptor protein serine/threonine kinase (TMK1) mRNA, complete cds

TAGGGAGCCATATCAAAGGCCAGATATGGGTCATGCAGTCAATGTACTATCATCTCTTGTTGAGTTTTGGAAA  
CCAAGTACCAGAACTCCGAAGATATATACGGCATTGACCTTGAAATGTCATTGCCTCAAGCTCTCAAGAAAT  
GGCAGGCTTATGAAGGTAGAAGTCAAATGGAATCGTCTTCATCGTCCCTCCTCCTAGCTTCGACAACACTCAA  
ACCAGCATACCGACACGACCATATGGATTTGCAGAATCTTTCACATCTGCAGATGGAAGATGAAAAGTATTTT  
TAGTGTAAGGTTATCTTTTTGCTTTGCAAGTTATTCTTCATTACTTCTTGCAAAAATAGTGTTTATATGTAA  
TTGTTCTCGACCTTCAGTTTGCAAAATTTTCATGTTTTAGTATAGAT

>trans\_c\_6040 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GAAACGTCTGCTGAATCGCGTAATCACTTTGCGGGTACTCATTTTGAGAAGAGTTGCTCTTTGGAGAGCACAG  
TACGATGAAAGTTGTAAGCTGTGTTGCGGGGGGAGTTATTGTCTATCGTTGGCCTCTATGGTAGAATCAGTCG  
GGGGCCTTCGAGGCGGTGTTTACCCTGTGGCGGATGTCAGCGGTTTCGAGTCCGCTTATCTCCAACCTCGTGAA  
CTTAGCCGATACAAAGCTATATGATAGCACTCCATTTTCCGATTTCGGCAGTTCGATCTATGATTTCTCATT  
GGACGTTGATAAGATCCTTCCATTAGCAGCACCTTAGGATGGCATAGCCAAGGGAAAGGAAATCTCTTTCAA  
ACGAAGAAAGGCTTACGGTGATACCTAGGCACCCAGAGACGAGGAAGGGCG

>trans\_c\_6041 AY104005|Zea mays PCO062854 mRNA sequence

GGAAAAGTATGCCGAAAATGCTACTGTAGAGGGAAGCGAAGAAGATGGTTTTAGAGACCTAGTTCGACATAC  
TATGTTTGAGAAGGGTCAAAGTAAACGTATATGGGGTGAGCTCTACAAAGTAATCGATTCTTCAGATGTTGTT  
GTCCAGGTTCTAGATGCAAGAGATCCACAAGGAACAAGGTGTTACCATTTAGAGAGACATTTGAAAGAGCAT  
TGCAAGCATAAACACGTGGTCTTCTGTAAATAAGTGTGATTTGATTCTGCTTGGGCAACAAAGGGATGGC  
TTAGAGTGTTATCTAAAGAATATCCAACCTAGCATTTCATGCAAGCATCAACAAATCCTTTGGAAAGGGTTCT  
CTCCTATCCGTGCTGAGGCAATTTGCCCCTTATTTCCAGTGGATGGCGATCC

>trans\_c\_6042 AJ438264|Nicotiana tabacum mRNA for protein kinase CK2 alpha chain (ck2A2 gene)

GATCACCAGGATAGGCTTACAGCAAGAGAAGCCATGGCACATCCATATTTCTCCAAGTGAGGGCTGCTGAA  
AATAGCAGGATGCGAACACAGTAGTAGTAATTAGATTATGTGGAGTAATGCATAACCCATAGTGTTATATTTG  
CTATGGGATGTTTAAGCGTTGGTGTTACTATAGAAATATGAGCTGCCCTGTATTATAGTTTAAGAACTGAAG  
CTAAAAAGGACTTCTATATTATTTTTGAAGTCGCTTTTTCATTGTTCTGGAGGAACGGTATGTAATGTGCAAA  
TTCTGAAGCGTGATGCTGGTGCATTCAACACTTCAAGTATTGCCATATTCTTCGTGAAGATCATTAATATATG  
GTCAAAATAGCAAGTTTAAGCTAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6043 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

GTTGTCTCTGATTTTCGTTCAACCTAAGTTTCGACCACAATTTCTAAATATTCATTGATACTACTAGGAATTGA  
ATCATTATGGCAAGGAAAAGTTTAATTCAGAGGGAGAAGAAGAGGCAAAAATTGGAACAAAAATATCATTG  
ATTCGTCGATCCTTAAACAAGAAATAAGCAAAGTTCCATCGTTGAGTGAGAAATGGGAAATTCATGGAAAGT  
TACAATCCCTACCGCGTAATAGTGCACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTAACCGGAAGACCGAGAGCT  
AACTATCGAGACTTTGGGCTCTCTGGACACATACTTCGTGAAATACAGATTCGGTCAAGAGGAAGAACTTAT  
AATATCGTAGCTGCTCATGGTTATTTTGCCGATTGATCTTCCAATATATC

>trans\_c\_6044 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,  
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

CTAGGTGTGGGTTTCCTTCCTTGGGATCCGTGCCGTAGCTAACGCATTAAGTACCCCGCCTGGGGAGTACGGT  
CGCAAGACTAAAACCTCAAAGGAATTGACGGGGGGCCCGCACAAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCA  
AAGCGCCTCCAAGGCAACTAAAGGTCACGCGTCCACCTCCCAAGTGAAGGTGCCTTCGGGAACGCGGACAC  
AGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCGTAAGGTGTTGGGTAAAGTCCCGCAACGAGCGCAACCCTCG  
TGTTTAGTTGCCAACCGTTGAGGTTGGAACCTGAGCAGACTGCCGGTGATAAGCCGGAGGAAGGTGAGGTA  
CTGCAGTTGTCATCATGCCCTTATGCCCTGGGCGACACACGTGCTACAATGGCCG

>trans\_c\_6045 CT029973|Poplar cDNA sequences

CCATCTCTCCACGGAAGGTGGCTCACTTCTGCTCCATGTGTGGACCCAAATTCTGCTCCATGAAGATAACAGA  
GGATGTGCGGAAGTATGCTGAAGAACATGGGTACGGGACTGCGGAGGAAGCTCTGCAGCAAGGGATGGAT  
GCTATGAGTGCTGAGTTCTTGGCTGCAAAGAAAACCATAGTGGTGAACAACATGGTGAACTGGTGGGGAA  
ATCTACTTGCCTGCAAGCTACGTGGAGTCCCAGAAGAGGTGAAGGACCGTTCGTGAAGGAGAAAGGGGTGG  
AAATGCAGGAGATTTATCGGCGATGATTAGACGACCAGACCAGAAAATTGATACCTGCTTGAGTCTCCAGTTT  
CAGGCCATGGAAGAGTACTAAGTTTAGAGTAGAATTAAGAGGGGCGTGGCTGTATT

>trans\_c\_6046 AB605798|Nephroselmis astigmatica gene for 18S ribosomal RNA, partial sequence,  
strain: SS21

GTGGAGCCTGCGGCTTAATTTGACCCAACACGGGGAAACTTACCAGGTCCTTACTCCCGCGGCTGCTCCGCCA  
TCACTCGCTGCCGACGCTGATCTCTCCTCTCTCTCTCTCTCTTGTAAACGCCGTCGTATCCCCCCCCCCCCAA  
AACCCCATTCCTAATTTCTGCCTGTTTCGTCGTTTTCTTACTGCTTTGAAGTTCGACAACAGAAACGACATGTA  
GTTCTGGGGATTTCCTTATTTTAATTACCTTTTTTTTTCGTTCGCAATCTAGGGTGTGGAACGACGTCGT  
TTTGTTAGTTGGCTATTTAATTATGATAATGATGTGTACTTTTTATATCTGAATCTGATTATATAAATTCAAGATT  
GTTTTCTTTACGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6047 GQ998726|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase  
CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

CAAACAATTTTAACATTTGAAAGTTCTAAAATTTATTTATACTTTACTTGTTTTCTTTTATACTTGGTCTTGAAGT  
AGAAAACGTTCCATCTGTTCTGAATAGCTTCTTCAAAGGGCTTCGCTTCATTGGTCAATGTCTTCGTAGA  
AGAGATTATTTCTTGAACTGAGGTTTATTCGTTTTACGTAAGTACGTAACCAACAAGAAATTTCTTACTTG  
TCCAATTTCTAATGAATCAAGATAACCATAGTTCGGGTATAAACAGTCATTATCTGTTTCGTCTACCGTGAGAG  
GTGCTGATTGGGATTGTTTGAGCAACTCACGTAATCGTTGACCTCTTGCCAATTGATTCTGAGTAGCTTTATCG  
AGATCAGAAGCGAATTGCGCAAAGGCTTCTAATTCGGCAAATT

>trans\_c\_6048 GU723472|Vitis vinifera cultivar Muscat Hamburg magnesium chelatase H subunit (CHLH) mRNA, complete cds

AAGATGAGGAGATGCTGAACAGGCTGATGAAAACCAATCCAAACTCTTTCAGGAAATTGGTGCAAACATTTT  
GGAGGCCGAACGGGCGGGGATATTGGGAACTTCAGAGGAAAATATCGAAAACTGCGGCAATTGTACTCTG  
AGGTTGAAGACAAGATTGAAGGGATCGATCGATGAAGGATATATTGATATATTGATCATGAACAGGTAAAT  
TTGTAAAACCAAGAACAGAAGAATGTAAATTACTTTGGCCATTTATTTAACCATCCTCTTCTCTTTTAGGATGG  
ATGGATGTAATTTTGAATGTGAAATTATTTGAGACTTTTTTTTTTTTTTTGTACTATTTTAAAGTCTTAATT  
GCAAATCTCATTTGGATGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6049 AY396191|Praecitrullus fistulosus photosystem II protein (psbC) gene, partial cds; chloroplast

GTAAGAAGGATAAGCATCCAGTAAATATTACGCGCAGGAAGGGCTCGTGCAGCTGCCGCAGGATTGAAAAA  
GGAATTGATCGTGATTTTGAACCTGTTCTGTTTCATGACTCCTCTTAAGTACAGGCGATCTAATGCTTGAAG  
TCAAAATCAATTGGATTCCACCATACATATCAGGTTGGACAGATCGGGTTATATTTTAAAGTCTCTTTTTCC  
TTTCTTCATTTCTATCTAATCTGGGGGGAGGAAATAGAGGCGGGGAGAGATGGCTGAGTGGACTAAAGCGTC  
TTCGGTAGCCGAATGGTGCATCGGGGGGTTGTCTCAGTGGCTGAAATCACCAACAGCGCTTTGAGCCCTCGT  
CTATGATGGTCAAGTGTGATCCCCGACACGGTAAGTACATGGCATGCTGC

>trans\_c\_6050 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant, complete sequence

ATAGATTAGGGTAAGCGAGGGGATCGTTTCGTCTCTCAGTGTGAGTGTGCGGCCAGCAGAGTGCTTTCGCCGT  
TGGTGTTCTTTCCGATCTCTACGCATTTACCGCTCCACCGGAAATTCCTCTGCCCCTACCGTACTCCAGCTTG  
GTAGTTTCCACCGCCTGTCCAGGGTTGAGCCCTGGGATTTGACGCGGACTTAAAAAGCCACCTACAGACGCT  
TTACGCCCAATCATTCCGGATAACGCTTGCATCCTCTGTATTACCGCGGCTGCTGGCACAGAGTTAGCCGATGC  
TTATTCCCCAGATACCGTCATTGCCCTCCTCTTAAAGGGGAGGATTCACGACCCGTAGGCCTTCTACCTCCACG  
CGGCATTGCTCCGTCAGGCTTTCGCCCATTTGCGGAAAATTCCCCAC

>trans\_c\_6051 AY527169|Citrullus lanatus var. lanatus NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

TCAAAAAGGATTCCTCCCCTTCTTCGCCGGACAAAATCGATGAAACGGAAGAGATCCGAGTGAATGGAAAGG  
AAAAACAAAGGATGAATCCACTTTAAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAACTTC  
TTACCCTCCGGATGGAAATAAAGAAAATTCGAAGTTAGAAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTCTTCTGGTTT  
GAAAAACCTCTTGACTATCCTTTTCGACTATAAACGATGGAATCGTCCAGTTCGATATATAAAAAATGATAA  
ATTTGAAAATGCTGTTAGAAACGAAATGTCACAATATTTTTTTTATACATGTGAAAGTGACGGAAAAGACAGA  
ATAGTTTTTACACATCCACCTAGTATAGCAACTTTTTTTAAATGATAAA

>trans\_c\_6052 X03853|Pea chloroplast gene for ribulose 1,5-bisphosphate carboxylase (rbcL)

CGATATATTTTTTCTACTTCTTCCTTAATTTCTTCTTTCGCCTACATCTTTTATGTCTATCTATGTTGATTATCTCT  
ATAGTGCCAACTAAGTACGTAGTTTTTTTAAATTCTTTTCTATTATTTAATAGAATTTATTATTATTAGAATATT  
TTCTCTTATTCTATTTTGTTAACTTTATCTAGTTAAATATAGTTATTCAACTCAAATTGTTATTCCATTTGTTTTT  
ATTCATTTATAATTCTTTTGTTTTGTCCATTATAGGCGTTTTTCATTATTCACATTAATATTGACAACAGTGTATC  
AAACAAATATAATCCGATTGTGTATAAATGAAGCTAGTTATCTCCCTTCATGACCTTTGCTTTTCACGCACATG  
ATGGTCTCACTCACAGACCAGTGTGATGGT

>trans\_c\_6053 Novel Gene

ATACAAATGTTTTCTTAGCCTTTTTGTGAAATCTCATGGATGATGATGAATCGATGATGATCAGAATCAAAAAT  
AATTCGTAATTTCTTATTAACCTGAATCTATCTCAGTTTCTCCATTCGTTTCCAAAATTCTCTTTCGATTTA  
GTTACATTCTCTTAGATTACGATAGATTTTCCACTTCATTCTTGGAGAAAAATATCTGAATCTTTTGTGTTGG  
GATTGTCGAAATCTAATCGATTAAAGAAGCAGCGATTTCCGCCGGTGGATTATCGGCATTGTTATTGTTTCGG  
GGAATAAAGGTGATTTGTTGAGGGAAATTAGAGCGACGAAGCTGAGAGATCGAGTGGATTATCGAGGAAGA  
AGATGAAGTTCTGCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6054 AF479180|Exacum affine 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CTTGGCTGTGGTTTCGCTGGATAGTAGACAGGGACAGTGGGAATCTCGTTAATCCATTCATGCGCGTCAGATC  
GGCTCGTCAGAGGCATTTGGCTACCTTAAGAGAGTCATAGTTACTCCCGCCGTTTACCCGCGCTTGTTGAATT  
TCTTCACTTTGACATTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCTGAGTATTA  
AAAATATTATCGAAAGCTTACAGCAGCTTGCCAAACAAAAGCTAATAGAAAAAGAATAGAGGTATTACTGG  
CATAACATCTACTATTGGATTCAAAAAAGCGTAGGCCTCGGGCAATTTGGCGACGAAAAAACTACTTGAATAA  
AGGAAAGAATTAAGACAGATACCGATGAACTTAAGATATTAAGCATA

>trans\_c\_6055 EF207443|Cercidiphyllum japonicum inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

CATGATTATAAGTTCATTCCATACCGGGCCAGACCGGAATAGGGATAGGTTATATACATTCTAATTATGAGAA  
GGGGTCATCCGAGCGTATTTAAATAGATACTATGTTTACATATGGATCCCTACGTCCTTACATTCCATTTAGGA  
TTAGGAATAGGTGTAATCGGACCTGTTTTTACATATCTCTCGTTATTTGGGACCCTATTCATCTCTTTGGGCTT  
CTATTGAATCGAAAAATAGGTTTGATTGTCCATCTTTTATGATAATAGTAAGGCATCCTCCGATAATTCAA  
TCGAAGCAATTGGATGTCCGACTCGGACCTATATGACATGACCGAGCAATAGAAATACTCTAACACTCCACCT  
TTGTCATATATTCCATACATCACAAGATAGATATCATATTCAT

>trans\_c\_6056 EU000010|Chlorophytum suffruticosum voucher A. Bjornstad 2804 (O) 18S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, complete sequence; and 5.8S  
ribosomal RNA gene, partial sequence

TATCTTCTTGGGTAGATAATCGATTGTCTTTCATTTTGATAGTGAGTTGTTTTTTCATAATAAGTAAAGAAGAA  
GATCTGGAGGTTATGCAATAGACCGTGTTGGAGAGAAAGAGGAAGAAAGGGAAGTTCAAGACTCATAAGTG  
CTCTTTCAGTTTCATTCTCTTTAGAGCTCCTCTATTGATTCTTCTTCATATCAACTTTTATGTTTTCCACT  
AGGCGGGATCTCCGCAAGCTGCAGGATGGCTTGTAAGCAAGCAAGCAGTTATGTAGGCGCCAAGTCCAA  
GTTCTTCTCTTCTTTTGTATTGAGTCCAACCAATGAACTGAAATTCCCTCTATCAAATAGATATGCTTA  
GCCTCTGGACTTCCCTTCGGGTGTCTTTACGACGACAACT

>trans\_c\_6057 XM\_002322189|Populus trichocarpa histone acetyltransferase (HAG905), mRNA

AGGGCAAAACGTCTATCTGAACGCTCTCAAATCCGCCGCTGCCGGAAGTATGGCCTTGACGGGCACCAAA  
GCTCGTTGAAATGATCGCAGCACTTCTGAATCGGACCGCGAGGCCCTACTACCGAAGCTTCGAGCCAAGCCG  
GTTGCAACAGCCTCCGGTATCGCAGTCGTGGCCGTGATGTCTAAGCCGCATCGTTGCCCTCATATTGCTACGA  
CGGGGAATATTTGTGTGTACTGCCCCGGAGGACCTGATTCAGACTTTGAGTACAGTACCCAATCTTACACTGG  
TTATGAGCCTACAAGCATGCGTGCAATTCTGCAAGATACAACCCATATGTCCAGGCTAGAAGCAGGATAGAT  
CAGTTGAAGCGTTTGGGTACAGTGTTGATAAGGTTGAGTTCATCTTA

>trans\_c\_6058 AY027437|*Arachis hypogaea* serine/threonine/tyrosine kinase mRNA, complete cds

CTTGAACGATTTCTCTCTTTTCTTTCTTCGTTTTCGATTGATCTGTTTTAGCTTTTCAATTTGTGATGAAG  
ACTTGACAAATCGGAATCCCCACGCTTGACCTCCTGATCGAGATTCTACTGCCTGCTGTGAACCTAGCATCG  
GTGATGCTAAAGATATAAAGGGAATCAAAAGGGTTCTCGTAAAGTAGAAAAATGTTGGAGGGTGGTCAAAA  
ATTCCCTGGAATGATCGATTAAACGAGCATGCATATGATCTATCGCAAGGGTTTTACCATAAACTTGGTGAG  
GGAACCAACATGTCTATTGACAGCTTTGCAAGCTTGCAAACGAGCAACGATGGAGGGTCAGTTGCCATGTCTT  
TAGATAACAGCAGTGTAGGATCGAATGAGTCTCACACTCGGATC

>trans\_c\_6059 GQ997879|*Ximenia americana* voucher FLAS:W.S. Judd 8070 photosystem I P700  
apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

AGTCCGCCATTGTGCTTGATTTGGATCAACCACACTGTGTCCAATCCCGAAGTTAGTTCTATACATATGACCAG  
CAACAAGAAAAATAAATGCAATAGCTAAATGATGATGAGCCATATCAGTCAGCCATAAACTTTGCGTTTGCGG  
ATGGAATCCACCGAGAAGGGTTAGAATGGCAGTTCCTGCTCCTTCGGGGACGTTGGGCGGGCAGCCGCCTGA  
ATCGGGGTTTTGAGCATAAAGATTCCACTGACCTGTAAAAAGTGGTCCTAATCCTTGGGGATGTGGCAATACA  
TCTAAGAAATTATTCCATCGAACAGATTCTCCCCTAGATGCAGGAATGGCGACATGGACTAAATGTCCTGTCCA  
AGCCAAGGAAGTTACTCCGAATAGTCTGACAAATGATGATTGAGA

>trans\_c\_6060 AJ400848|*Spinacia oleracea* complete chloroplast genome

GAACCCTGAGCAGACTGCCGGTGATAAGCCGGAGGAAGGTGAGGATGACGTCAAGTCATCATGCCCTTATA  
AAATACGAAATAATAGTACGAATTATCTTATCCCATTCGGAAGGATATCATCTCATAATTATCTATGACTGTTTC  
TGTCTCTAGCACGACCACTTGATGAAATGGGGAGGGAAGTGGGACAAATGGCCGAGACTACTGGAAGGATT  
CCTCTTTGGATAATCGGTACTGTAAGTGGTATTCTTGTGATCGGTTTAGTTGGTATTTTCTTTATGGTTCATATT  
CCGGCTTAGGTTTCATCTCTGTAATAATCGGATGAACTGAGTTGGAGACATGAAAGTGTAAACGCAGAGATT  
ACCATTCGCGAGATTAGAGATACGATCGTCTCCATGCTATAGG

>trans\_c\_6061 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

AGTCCGCCATTGTGCTTGATTTGGATCAACCACACTGTGTCCAATCCCGAAGTTAGTTCTATACATATGACCAG  
CAACAAGAAAAATAAATGCAATAGCTAATGATGATGAGCCATATCAGTCAGCCATAAACTTTGCGTTTGCGGA  
TGGAATCCACCGAGAAGGGTTAGAATGGCAGTTCCTGCTCCTTCGGGGACGTTGGGCGGGCAGCCGCCTGAA  
TCGGGGTTTTGAGCATAAAGATTCCACTGACCTGTAAAAAGTGGTCCTAATCCTTGGGGATGTGGCAATACAT  
CTAAGAAATTATTCCATCGAACAGATTCTCCCCTAGAACGTCCTTACCGCTCATGGACTAAATGTCTCACTCAA  
GCCAAGGAAGTTACTCCGAATAGTCTGACAAATGATGATTGAGA

>trans\_c\_6062 Novel Gene

CCGTTATATGCATGCTAATGGGGCAAGTATGTTTTTCATTGTGGTTTACCTTCATATTTTTCGTGGTTTATATTAT  
GCGAGTTATAGCAGTCCTAGGGAATTTGTTTGGTGTCTCGGAGTTCTCATCTTCTATTGATTGTGACAGC  
TTTTATAGGATACGTACTACCTTGGGGTCAGATGAGCTTTTGGGGAGCAACTGTAATTACAAGCTTAGCTAGC  
GCCATACCCGTAGTAGGAGATACCATAGTGACTTGGCTTTGGGGTGGTTTCTCCGTGGACAATGCCACCTTAA  
ATCGTTTTTTTAGTCTGCATTATTTACTCCCTTTTCTTTTAGCAGGCGCCAGTCTTCTTCATCTGGCCGCATTGCA  
TCATATACCTAGTGGCGGCTTGCCTTGCATGTAAGTG

>trans\_c\_6063 GQ997488|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333  
cytochrome b6 protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

AACCTAGTACGAGAGGAACCGTTGATTGCGACAATTGGTCATTGCGCTTGGTTGAAAATAACTGTTATAGGAT  
CGTTTACGAGCGGTATTGCGGTGTTTCTGTTTGAGCCGTACGAGACGAAATTCATATACGGTTCTCAGAGG  
GGGGTCCCCTTGTTTACCTATCTCAATAAAGTGTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTTGAAATTCAGGCGATT  
GCAGATGATATAACTAGTAAATACGTTCCCTCATGTCAACATATTTTATTGTCTAGGAGGAATTACGCTTACT  
TGTTTTTTAGTACAAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCGACCGTTACTGAGCCCCATGCT  
TCTGTTCAATATATAATGAGCTTACTTGTTTTTTAGTACA

>trans\_c\_6064 GQ998757|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 photosystem II  
protein D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

ACCCTCTAAGCTCGTAAATTTACCAAAGACGAAAATGATTTATTCGATATTATGGATGACTGGTTACGGAGGG  
ACCGTTTCGTTTTGTAGGTTGGTCCGGTCTATTGCTCTTTCCTGTGCCTATTTGCCGTCCGAGGTTGGTTTA  
CAGGTACAACCTTTGTAACCTTCATGGTATACCATGGATTGGCAAGTTCCTATTTGGAAGGATGCAACTTCTTA  
ACCGCCGCAGTTTCGACTCCTGCTAATAGTTTAGCCCACTCTTTGTTGTTACTATGGGGCCCTGAAGCACAAGG  
AGATTTTACTCGTTGGTGTCAATTAGGTGGTCTGTGGACTTTTGTGCTCTCCACGGTGCTTTCGGACTAATAG  
GTTTCATGTTACGTCGTAAACCCAGTGCTCGTGCGTCAC

>trans\_c\_6065 AY350708|Psychotria pickeringii specimen-voucher A. Whistler 24414 external  
transcribed spacer, partial sequence

CTGACAAATGCAGATGGGGACCAAACACAACATAGCCTTATCCCAATGGACCAGCACAAATTCTCCCTACAAGA  
CTGATGATAGATGTAGAAGTGTAGAAGTGAACATCCTCTCAAATGCTATAAATGCATACAAGACTCCACATC  
ATAGATCGACACTGTCAACACCATAGCAATTGACCATTGAACCACACTCTCTCCCACTAGTCCACCATTCTTTAG  
TAGCACCATGAGCACATCCTGGAAGCGCAAGTCTACTCTCAGAAATCACTTGAAAATTAACATACTACTACC  
GCAACAATTCCATCTGTACACATCTTCAAAGATGTACTGGTAATGGTTGATGTCAACCAAATGTGAAGCAGC  
CATATGCAATAATTTTAAGAAACTCTGCATGATTAATCATAA

>trans\_c\_6066 NR\_022067|Arabidopsis thaliana (AT1G11185) otherRNA

ATCCAACACTTCAACACCAACAACAACAAAAAATCTTCTACTTCTTCTTAACTGA  
TATCTCTAGAAGATGGGTGAAGAAGCTAAGATGATGAACAACATCAACGGTCAGAGATTGGGAAGGAGAATT  
TCTGGGCGTTTGATCCCAAAGAGAGGGCAAGTGAAGATGGGAATCATGGTGGGGTTGGCTCAAACGTCACT  
TCTATCTTCTCTAACAGTCACAGTACTCAACAACAACATTGAACATTTAGATAGACACAAACGTACATAGCTTCT  
ATGTAATTTTGAGGTTGAAGAGATTAAGGTTGTAAATTTGTAGTGATATCAATGTCAATTTTATAACTTTTCAA  
CTATTCCGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6067 GQ997879|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 photosystem I P700  
apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

CGATATCTCCATATTAGGAGCAGGTAAAATATTTATCGCTGCCGAGCTCTGTCTCAATCATCATTTGTCAGGAC  
TATTCGAGTAAGTTCCTTGGCTTGAGTGAGACATTTAGTCCATGAGCGGATTCCTGCATCTAGGGGAGAATC  
TGTTTCGATGGAATAATTTCTTAGATGTATTGCCACATCCCCAAGGATTAGGACCACTTTTACAGGTCAAGTGA  
ATCTTTATGCTCAAAACCCCGATTGAGGCGGCTGCCGCCCAACGTCCCCGAAGGAGCAGGAAGTCCATTCT  
AACCTTCTCGGTGGATTCCATCCGCAAACGCAAAGTTTATGGCTGACTGATATGGCTCATCATCATTTAGCTA  
TTGCATTTATTTTCTTGTGCTGGTCATATGTATAGA

>trans\_c\_6068 AJ235496|Humulus lupulus chloroplast atpB gene

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGAACAGTACTCATTATGGAATTGATCAAACAACATTGCCAAAGC  
TCATGGAGGTGTATCTGTATTTGGGGGAGTAGGTGAACGTACTCGTGAAGGAAATGATCTTTACATGGAAAT  
GAAAGAATCCGGAGTAATTAATGAAGAAAATATTGCAGAATCAAAAGTGGCTCTAGTCTACGGTCAGATGAA  
TGAACCGCCGGGAGCTCGTATGAGAGTTGGTTAACTGCCCTAACTATGGCGGAATATTTCCGAGATGTTAAT  
GAACAAGACGTGCTTCTATTTATCGACAATATCTTTCGTTTCGTTCAAGCGGGATCCGAAGTATCCGCGTTACT  
GGGTAGAATGCCTTCGGCGCGGGGCGGCGCCAAAGGAAGACA

>trans\_c\_6069 AP009376|Nasturtium officinale chloroplast DNA, complete sequence

GACAGAACTGACAGCTAAAGTAAGGATTACGAAAAAGAAGTGCGGTAAAGGTAACGACTTCGGGCATGGCC  
AGCTCCCATAGTGTGACGGGCGGTGTGTACAAGGCCCGGGAACGAATCACCGCCGTATGGCTGACCGGCGA  
TTACTAGCGATTCCGGCTTCATGCAGGCGAGTTGCAGCTCGTGATCCGAACTGAGGACGGGTTTTTGGAGTTA  
GCTCACCTCGCGGGATCACGACCCTTTTGTCCCGGCCATTGTAGCACGTGTGTCGCCCAGGGCATAAGGGGC  
ATGATGACTTGACGTCATCCTCACCTTCTCCGGCTTATCACCGGCAGTCTGCTCAGGGTTCCAACCTCAACGG  
TTGGCAAGATTTACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAA

>trans\_c\_6070 EF207451|Paeonia brownii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

ACCTACCGATACGATCCGAACTGAGAATGGTTTTGTGGGATTGCTTGACCTCGCGGGTTCGCTTCCCTTTGTT  
CCATCCATTGTAGCACGTGTGTAGCCCAGGTCATAAGGGGCATGATGATTTGACGTCATCCCCACCTTCTCCG  
GTTTGTACCGGCAGTCACCTTAGAGTGCCCAACTGCCGTGGGGCAACTAAACACGAGGGTTGCGCTCGTTGC  
GGGACTTAACCCAACACCTTACGACACGAGCTGACGACAGCCATGCAGCACCTGTATCAGAGTTCCCGAAGG  
CACCAAAGCATCTCTGCTAAGTTCTCTGGATGTCAAGAGTAGGTAAGGTTCTTCGCGTTGCATCGAATTAAC  
ACATGCTCCACCGCTTGTGCGGGCCCCCGTCAATTCCT

>trans\_c\_6071 DQ629289|Helminthostachys zeylanica large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TTTGAGTAAGAGCCAATTTCTAGAGTACAAAGGCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAGACCCACCCGTCGAGCAG  
GGACGAAAGTCGGCCTTAGTGATCCGACGGTGCCCTCACCTTCCCGGCACGCTCAACGGATAAAAGTTACTCT  
AGGGATAACAGGCTGATCTTCCCAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTGGCACCTCGATGTCGGCTCTTCG  
CCACCTGGGGCTGTAGTATGTTCCAAGGGTTGGGCTGTTGCCCCATTAAAGCGGTACGTGAGCTGGGTTCACT  
TGCAGCACGTCGTGAGACAGTTCCGTCCATATCCGTGTGTTTCGTTGGAAGTTTGAGAGGAGCTGTCCTTAGT  
ACGAGAGGACCGGGATGGACACACCGCTGGTGTGTTGAC

>trans\_c\_6072 XM\_002871860|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin alpha-3 (TUA3), mRNA

GATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAAGTCTCATGAGAGAGGATCGAACCATCCCTT  
CCTTGAGAGAGATTGGATTTTGATTGCGGGATGAGGGAGATTATCAGTCTTCATATTGGTCAAGCTGGAATTCA  
GGTCGGTAATTCTTGCTGGGAGCTTTACTGCCTCGAACATGGCATTACGCCCCGATGGTTTGATGCCAGTGAC  
ACATCGGTTGGTGTGACATGATGCTTCAACACGTTTTTCAGCGAACTGGTTCGGGCAAGCATGTTCTAG  
AGCAATATTTGTGGATCTGGAACCACTGTTATCGATGAAGTAAGGACTGGGACATACCGACAGCTTTTCCAT  
CCGGAACAGCTCATATCTGTGCCCTCCTCGTAGTACC

>trans\_c\_6073 NM\_125333|Arabidopsis thaliana ORP3C (OSBP(OXYSTEROL BINDING PROTEIN)-RELATED PROTEIN 3C); oxysterol binding (ORP3C) mRNA, complete cds



ACAGAGTTTTGTGCCAAGATGGTTTGATTAAACCGAAGAGGTTACGTCCACACCATGGGGTGACTTGAAATC  
TACCAATATAATGGTAAATACACCAAGCACCGATCTGAGATTGATAGTTCTGGTTCAAGCAGCAACGACGATG  
TTGACGTTAAATCGATAGAATTTAACCCCTGGCAATACGGGAACCTGTCGTCAGATTAAGGCTCTTCTCATCTA  
TGTGTTGTTTGGTTGGGTTCTCCAGATAGTTGGTAACATTTTTCAGCATTGATATCGTAGTGGTCTGTTGTTTG  
TTTATATACATAGAGCTTTTACATTTTGTAACTTTGTTATCAATCTTTGCCAGTTTGATCAATCCTACAACCTTCT  
ACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6074 Novel Gene

AATTCTAAATATAAAGAGGCTTTTGAGGCTTTGGATTGTGGTGATTCTACCATGGCCATGGATATGGATGGT  
TAAGAAGGAGAACTTTGTAGAGCTCGGCGGGATGTCGTGGAGGCTGATAGTGTGGAAGAGAAGATTAAT  
AGTGTTGGATGAGCAATAGTGAGAGGATGTGTTGTAGGTGTGTACTTCCTAAAACCTTTAGTTCGGTGCCTTAA  
GTAGTATACTTGTTCAATTATTAGGGTTTATAATGATTCACTATTCACTACTAATATTATGGGATCAAGAGGCCT  
TGCAAAGGTAATTTGTTTAACTCTATTCTTCAACCTTCTCTCTTTCTAGATGGCTCATTAGAAATATTGTTTT  
TCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6075 Novel Gene

TGACGCGCATGAATGGATTAACGAGATTCCCACTGTCCCTGTCTACTATCCTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCC  
AGCGGGCGAGGCGGGCTCCGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTCGT  
TTTGAATGTCTCGTTCAGCCTCACGAGTCTACAAGCCTTTCTCATTCCAGTGCTCGCCTTTGAGTAGGGGTCCC  
GAGAGAGCGTACCGCCATAGTCGTGAGTCTGTTATACTAGCGCGTCTATGTCATAGTGAACAAGGTTGAAACT  
TCCAGGAAAAAATCTTTTTGGGGTCAGAGCACCGCCCTGTCAGTGCCCTGTGACGCCCAAGCTCGAAATGA  
CTGAAATAACATAAGGTTAATGCACTACTAAGA

>trans\_c\_6076 AF452015|Petunia x hybrida aquaporin-like protein (TIP1;1) mRNA, complete cds

CACACCTATAGGCGTCATCACGATCTCGAAAACGAAGGCGTTTAGTTCACCAACTCCTGCTGATAGACCGAAG  
CTTCCGGTGGGCAAGCCGGTGACGAATTTAAGGAGCAAGCAAGCGACAACGGATCCGAGGAGTTGAGCAAT  
CCAGTAGATGATACCACGTAGGAGGGTGATGTTACCGCCAACGAAGGCACCAAAGGTAACGGCGGGGTAA  
CATGGCCACCAGAGATGTTAGCGCCAACGGAGACGGCAACGAAAAGAGCAAAGGCATGGGCGATGGAGGC  
GGAGATGAGACCGGCTGGAGTGGCAGCGCCGTCATTGGTGAGCTTACTAAAGGCTATGCCGGAACCTTGTA  
AGCAAAAACAAAATCAAGGTGGAATAAACTCGGGCCAATCCA

>trans\_c\_6077 FJ101620|Pinus taeda isolate 8123 anonymous locus 2\_7202\_02 genomic sequence

TTTGACCTTCTAACATCTCAAATTCTTTGATCCTCACGCTTTTTGATTGAAAAAAGATGAAAAGACAACCAGG  
AGGCAAGGAAGAAGAAGAAAATCAAGCCTAAAGAAGAGACAAAAGTGGAATCAACTCCAAGCCTATCAAGG  
CAATGAACAAGGGCTCGCATTAAAGCTATCACCTGGACCTTTGTTTTTGAACAGGTTAATATGGATAGTCAAG  
AGGAGCGAAAGCGGCTCGACTGTCAGGAGAGGAGCGAAGCCACTCGACTGAGGTTAGGAAGGAGAGGAGC  
CGTAGAATTATAAGAGGTCTAGATGACGGGTAGTGGAATTTTCTTCGTTGCACTCCTTTTCATTGAATTTGAA  
GGATAAGGACTTTCGCTTTCATTCAACTCGATTAAATG

>trans\_c\_6078 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

GTAAGACCGACGACATATTAACCTTTGTCAGCGGGCTTGGACCATGTCTCCGAACAATCTCAGTACATATGG  
CGCAAGACGATTTACATATCGAGGTCGGAATGGGATCGGGTGTTTTACGTCGATCGCTAGTGCCCGCTTTG  
GGAGATGAATGAAGAAGAAGGAAGAAGTGAGGCTCAAAGAATGATCGATGAACAAGGGCTCGACTGAAAG

GAGAGGGCTTTGATTCTCTCATTACGATAAAAGCAAATTCACCTCGATTTTCACTATGAAAAAGCAAATCAC  
TCTGATTAAAGAGGGGTCTCGGAATAGAAAGAAGTTTGAAAAGAAGAAAAGTGTCCGTTGTCATTTACTTAAT  
TAAGACATGAAGATCGGTAAATCGGTCTTGCTCATA

>trans\_c\_6079 X96932|N.tabacum gene encoding ascorbate oxidase-related protein

TGGTAAATCCCGAAATATTAAGAAAAACGTAAACGAAAAGAGACCTTCGGGCTTCGGATCGAGATTGAA  
AGAGGATTGGATCGGGCTTGAGTGTGGACGGGTGTCCACCGGGTTTTTAATTGAACAGGCTCTACGACGAA  
TAGCGGTTAGAGATTCAACCGACGGTGTGTTCTCAATTCCTGTTTAGATGTTAAGTTTGTTTACTATATTCTGTT  
CTTTTATGAATCGAATGTTCTTCGGGTACTGTAATCTTGAAATACTACTACACAATGAATGAATATAGGCA  
GTAGCCTTTGGTTACATTGATCTGTTGTTGGTTCTTTGGAATTACTTTTTCTTTCCCTATTTTTTCGTGTGATG  
AAATGAAATGCAAGTATTCCGAGGGGTGCG

>trans\_c\_6080 FJ906798|Gynostemma pentaphyllum squalene epoxidase mRNA, complete cds

AGCTTGCTTTGATTATTTGAGCCTTGGAGGAATATTCTCAACTGGGCCTGTCTCCTTGCTTCGGGATTGAATC  
CTCGCCATTGAGTCTCGTTCTCCATTTCTTTCGGGTGCAATATACGGAGTTGGTCGCTTACTGCTTCCATTTCT  
CTTCTCTAAAAGGCATCTGGATTGGAGCAAGATTGGTCTACAGCGCATCAGGAATCATATTTCCAATAATAAA  
GGCGGAAGGAGTTAGGCAAATGTTCTTCCAGCAACTGTTCTGCTTATTACAGAACCCCACCAGTTCTTAACT  
CATAGCATCAGAGGGATGGGATACACAAAGGAAGGATCAAGTTGGGCACTGTTTATATCATAATTCAGGAGG  
AAGAAGAGGCATAGCATGGAAGAGAAGGTC

>trans\_c\_6081 X04693|Spinach gene for plastocyanin

GAATCCCTCTCGATCTTGCTGGGTGGCGACGACGGTCTCTTACATTCGTTCCCAACAATTTACGGTGGCGTC  
GGGGGAGACAATCGTGTTCAAGAACAACGCGGGATTCCCACACAACGTGGTATTTCGATGAGGATGAAATTCC  
GAGCGGAGTTGATGCCGTAAGATCTCGATGGATGAGGAGAACCTTTGAATGCTCCCGCGCAGGTTTATGA  
AGTTCAGCTTACTGAAAAAGGAAGTTACTCGTTCTACTGCTCGCTCATCAAGGTGCCGGAATGGTCGGAAAA  
GTTACCGTTAATTGATGATCCGATCCGATGGATTCCATTTTTCTATGTAATGTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT  
ACTTCTTGACTCATGTATAATAATTTTAAA

>trans\_c\_6082 DQ359729|Nicotiana attenuata jasmonic acid-amino acid-conjugating enzyme  
(JAR4) mRNA, complete cds

TTAGGAGCGGCTGTGAGTCAGTACAAAACCTCGTTGTGTTATCCCTACAAACACTGCTGTGTTGCAGATCCT  
GTGCTCCAATGTTGTTAACTCCTATTTACAGCACTGCCTATTAGTTTTTGGTTTTGTTAATCTCTCCTTCCTTTTTT  
TTTTTCTCCTTACATCACATGCATCACACCTTTTCCCTTCTCCCATGTGCTCTCTTCTCTACTCTATAATGT  
ATATCTCAAATTCTAGTTATAAACTTTTCCCTTTCTTTTTTCTTTTTTCTAAATTGGTTCGTATAAACAAACA  
ATCACCTGTCAGCTGGGATATAATTTAATAGATAGAGATAAATGTCTTAATTGCTAAGCCAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6083 NM\_001049452|Oryza sativa Japonica Group Os01g0328600 (Os01g0328600)  
mRNA, complete cds

AAATTTGCAGCCAACCCCAAATCAAAAAATCCATTGGCGGTCTCTTGAAGGTCTTCCAAACAGAGGTGTTGTA  
CGATTTTATCCAAGGGCCCTTCATCTTGCCTGGTAGAATTGACCGTCTCCTATGAAGTCCCTCCTTTTTGTCT  
CCGGTGGCTTCTGCACTGCAACCTTTGCTTGAGAGATTACTTCAACGAGGTCTCAAAAGTTTGTACGTTTGC  
GAAGAAATACCAAACGGCTTGAAGATTGAAGATATTGTTATAATGGGTATCATACATTACGATTTTTTTCAAAA

TACTCCGACTGAACAAATGTAAAATCTTGAACACAATAATCTGTTTTACTAAAGAATCTCATTACTTTACTAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6084 XM\_002863294|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pectinesterase family protein,  
mRNA

GGTTCGGGACCCATCTACGTGGGCGGTGCCATGGGGCAGTACTCGAGAATCGTCTACGCGTATACTTACTTTG  
ATGATGTGGTAGCACACGGTGGATGGGATGATTGGGACCATGTCAGCAACAAAAACAAGACTGTATTTTTTG  
GAGTATACAAGTGCTGGGGGCCAGGGGCGAGCAAAGTAAAAGGAGTATCATGGGCCAAGGAGTTGGAGTA  
TAAAGAGGCACATCCATTCTAGCCAAGAGCTTCGTCAATGGCAGACACTGGATTGCTCCCTCTGATGCTTAGT  
TCTTCTACCTCTCCAACATTGCAATACAATACTTTTTAGTATATATGCGTTTTTTACTCATTTCCAAATATTTATAT  
TAATTATATTCATTCAATTTGTACTCCAC

>trans\_c\_6085 XM\_002867151|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lysine-ketoglutarate  
reductase/saccharopine dehydrogenase bifunctional enzyme, mRNA

CGAGATCAAGATTTTCTTGTGGATTAGCCATCCGACTTAGAGAGTGAATGATCTTATCCAAAATCCCTATATCA  
TCAGACCAATTTCAAGGTCTGAGTGTGACATAGCATTTCGATTCTGGCCCACTTGACAGTGAACCAAGTGAA  
ATGAGCCACCAGCTGCTTCAATAATATCTAAGGCCTCATTTATTAGAAATTGATCGAACAAATGGCCACTCAGA  
GACACCTGTATATTGAACATTTTGTGGAGTGGCCATTGGCAATATCCACAGAAGATTCTTCAGATTCAGACTT  
CCGCATACGTGGAATATATTCATACAAGGAGGTTAGTGCCCTCTATGAGCTATGCAGGCTCTCCTCAAATGC  
ATGGGTAACCTAGAAATGTCAACCACA

>trans\_c\_6086 FJ486230|Joinvillea plicata cytochrome b6 (petB) gene, partial cds; chloroplast

AGAGGTAATACAAAAGTGTGTAACTATAAAAAACGAGTCAAGGTAGATTGTCCCACACTAGCACTTCCGCGTA  
ATAACTCTACCAAAGGCGACCCTATTACTGGAATAGCTTCCGGTACACCTGTTACAATTTTGACTGCCCAATAA  
CCAATTTGGTCCCAAGGTAAGGAATAACCAGTTACACCAAAGGATGCGGTCAATACAGCCAGAACCACACCTG  
TAACCCAAGTCAATTCACGAGGTTTTTTAAATCCACCAGTAAGATACACGCGAAATACGTGCAGGATCATCATT  
AAGACCATCATACTTGCCGACCATCTATGAACTGATCGGATTAACCAACCAAAATTTGCTTCCGTCATTATATAT  
TGAACAGAGGTTTCGGGTACGGTCTA

>trans\_c\_6087 EU017242|Trachelium caeruleum 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial sequence;  
chloroplast

TTAAAGCGATGGAATCCTGGCAATATGTTACGGCCGCCGTTACCGGGCTTTACAGGCACCCTGTCCTGTCATC  
AGGTCACCAACTTCCTTGACCTTCCGGCACTGGGCAGGCGTCAGCCCCCATACATGGTCTTACGACTTTGCGG  
AGACCTGTGTTTTTGGTAAACAGTCGCCGGGCCTGGTCACTGCGACCCCTTTGTGAGGAGCACCCCTTCTCC  
CGAAGTTACGGGGTCATTTTGCCGAGTTCCTTAACGAGAGTTCTCCCGCTCACCTTAGGATTCTCTCCTCGCCT  
ACCTGTGTCGGTTTGCGGTACGGGCACCTATGATCTAACTAGAGGCTTTTCTTGGCAGTGTGAAATCCGGAAC  
TTCGGTACTCAATTTCCCTCCCCATC

>trans\_c\_6088 DQ996280|Lycoris aurea mutant type III chlorophyll a/b-binding protein mRNA,  
complete cds

GCTATCTGATCCGGAAGGCACAGGAGGGTTCATCGAGCCAAAATGGTTGGCATACGGCGAAGTGATCAACG  
GAAGGTTTGCAATGTTGGGAGCAGCAGGAGCCATAGCCCCAGAGATCTTTGGATCACTGGGGTTGATCCAC  
CAGAAACAGCCCTCCCATGGTTCAAAACAGGGGTTCATCCACCAGCAGGGACCTACAACCTATTGGGCAGACCC

TTACACACTCTTTGTATTGGAAATGGCTCTGATGGGCTTTGCTGAACACAGAAGATTTCAAGATTGGGCCAAG  
CCAGGGTCCATGGGAAAACAATACTTTTTGGGCTTAGAGAAGTTCTTGGGTGGATCAGGGGACCCAGCTTAC  
CCTGGTGGGCACGGTTTCAAAAACAGACCCAAA

>trans\_c\_6089 AY883091|Gossypium hirsutum CNGC2 mRNA, complete cds

TCTTTCCAGAAATGGGCGACGAGGACGCCACGATGGCAGTTCATCACCAAGAAAGCCTCCCGGTTCAATAAA  
ACTTGTGCTGTCATGCCCTTGCTCAGGCTTTGGCTACGTTTTACTCGTCCACACACTATGAATAACATTCTTGG  
AACAGGATCTCCTTCTCTGATAATCTTTTCATCTTTGGAGAATACAAGTGGCTTGAATCGATCACATATGTTGTC  
TAGAATCAGCTCCTCCAGGTTTTGAAAGAGAGGCACCTTTCTGATTAGGTCAACACAAAGATGACGTTTGATA  
TCTCTTCTAAGACCTTCAGGCAAATCATTGATTAGTTCCATCTCATCTTCTCTCCCATAGCTGCCCATCTCTGGT  
GCTCATAGTGTGCGAACTNGATG

>trans\_c\_6090 X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

TCTACCTCGCCGTCTCGAACCGTTCCTTTTGGGTTCTCTGCTCTCAGGTCACCGATCTCTCTACCCGATCTTTCAC  
TTCAAGATCGACCTTTTTGTTCTTCTAAGGGTTTGTGAGATCCGATCGTCTAGGCAAAGATGTTTGGAAGGCC  
AAAGAAGAGCGATAATACCAAATATTACGAGATAGAACCTCAGAGTTTCTTACGCAGCGTTCTGCTAGATTAG  
AAGGCCTATAGAAAGGCCGCTATCAAGAACCATCCTGATAAAGGTGGCGACCCCGAAAAATTCAAGGAGTTA  
GCACAAGCCTACGAGGTGCTGAGTGATCCAGAGAAACGTGAGATATATGACCAATATGGCGAGGATGCCCTC  
AAGGAAGGAATGGGAGGTGCGGCATG

>trans\_c\_6091 Novel Gene

CTTGAAAAGGATGCTTTCCTGTAAACTATAAAAATTCGGTGATATTTATGCCCAAGTTACTGTATCTTCTTGTC  
GCAGTGCCTTGTGACATGTAAGAACAAATTTATTTTCATTTAGTGCAAGTATATCGTTAGGACCGGTGTTGCCT  
TCTTTTGTGTCCATTGGTTTGTGACAATAATATTGTAGTTTCAACTTGATTACAGTCAGGTATAGTACCCTATTT  
GTACATTTGGTTTCTCCTTTTTTAACTACATGGTTTGTGCGTTATAATTCATGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6092 X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

AAAGGCGTAACGATCTGGGCACTGTCTCGGAGAGAGGCTCGGTGATGCGAGTCCATCAATGATAAAGATCGC  
TGCTCACAATGCAAGGGTGAAAAGGTTGTTTCAGGAGAAGAAAGTTTTGGAAGTTATCGTGGAGAAGGGTAT  
GCAAAATGCACAAAAGATTACATTCCCTGGTGAAGCAGATGAAGCGCCTGACACTGTTACTGGGGATATTGTC  
TTTGTCTACACAAAAGAGCACCCCAGGTTTAAGAGAAAGGGTGATGACCTCTTCGTGGAGCATACCTTGT  
CTCTCGTCGAGTCTCTTTGTGGTTTCCAATTTATTCTGACTCATTGGATGGCCGACAGCTACTCATCAAATCAC  
TTCCCGGCGAAGTAGTGAAGCCTGACCA

>trans\_c\_6093 FN563085|Nephroselmis rotunda plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain M0932

CAAGTTGAAAATTGCGGGGATGAGGTGTGGGTAGGGGTGAAATGCCAATCGAACACGGAGATAGCTGGTTC  
TCTCCGAAATAGCTTTAGGGCTAGCCTCAGAATAGAAAGTCATGGAGGTAGAGCACTGATTGGACGAGGGGC  
CCCTATCGGGTTACCGAATTCAGTCAAACCTCCGAATGCCATAGACTTTGTTCTGGGAGTCAGACTGTGGGTGA  
TAAGGTTTCATAGTCGAGAGGGAAACAGCCCAGACCGCCAGCTAAGGTCCCAAAGTGTGTGTTAAGTGAAAA

GGATGTGGAGTTGCTTAGACAACCAGGATGTTGGCTTAGAAGCAGCCATCATTTAAAGAGTGCGTAATAGCT  
CACTGGTCGAGTGACTCTGCGCCGAAGATGAA

>trans\_c\_6094 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

TACGATGACATCACTGACTCAGAAGGGAGCCTTATCCTTTCGAAGGAAGCACTTTCGAGTGTGCGCTCCGCGA  
TATATCCCCTAAATCGGCATTTCAGGCGAGCCACCCGGTGGTGTGGTACGAAGTGGGTTTAGTACGCCCTGCC  
AAAACGGGTCTCACTATAGTGAAAGGTGCGTGCCGCACTCACGAGGGACTGCCAGTGAGATACTGGAGGA  
AGGTGGGGATGACGTCAAGTCCGCATGGCCCTTATGGGCTGGGCCACACACGTGCTACAATGGCAATGACAA  
TGGGAAGCAAGGCTGTAAGGCGGAGCGAATCCGAAAGATTGCCTCAGTTCGGATTGTTCTCAAACGAAGAA  
AGGCTTACGGTGGATACCTAGGCACCCAGAG

>trans\_c\_6095 EU293947|Hevea sp. Gillespie 4272 AtpF (atpF) gene, partial sequence; chloroplast

GGCGCTGGCGGACGCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCACTCGAACTGATCGGCTTCATTTCAACT  
TTTCGTAAGGCTCGGGCCCCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTAGTTCTTCTGAATTTGAATTGTT  
TTCAAGATCCTCTGTTTTCGATTATCTAATAAATCACTAACACTCCCTTCCAAAAAAATCAATACACCAAGC  
ACTACGCTTAGATTTATTAGATTTGTTGCTAAATATCGGTATTAAATCCGAACTCTCGGCGGATGGCCAGTA  
ACCCAAAAGGGTGTATCCCTGTGGTAACTTTTCTGACACCTCTAGCTTCAAATCCGAAGGTCTAAAGGATCG  
ATAGGCCACGCTTTCACG

>trans\_c\_6096 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

CCCCTTATGCCCTGGGCGACACACGTGCTACAATGGCCGGGACAAAGGGTCGTGATCCCGCGAGGGTGAGCT  
AACTCCAAAAACCCGTCTCAGTTCGGATCACGAGCTGCAACTCGCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAAT  
CGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTCGTTCCCGGGCCTGTACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGG  
CCATGCCCCGAAGTCGTTACCTTAACCGCACTTCTTTTTCGGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAGTC  
GTAACAAGGTAGCCGTACTGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTTTTCAGGGAGAGCTAATGCTTGTTGGGT  
ATTTTGTTTTGACACTGCTTCACACCCA

>trans\_c\_6097 FJ442190|Solanum lycopersicum stress-associated protein 4 (SAP4) gene, partial cds

CGGCGATCAAATCGAACCAGCTGAATCATCCATCATTCCAACCTCAAGCAACTTGACTTCATCAAATGCAAGCA  
GCACCGTAGAGAAGGTGAAAGAAAGCCCAAATAGGTGCAGCAGCTGCAGAAAGCGCGTTGGTCTAACAGGG  
TTTAAGTCCAGCACAAGGACCTCTTCTGTGAGTCCATCGCTACTCTGATAAACATAACTGCTCTTTTGATTAC  
CAGGCCGTTGGTCGGGAGGCAATTGCAAAAGCCAACCCTGTAGTGAAGGCTGAAAAGCTGGACAAGATATG  
ATAGACGAGACCGGTGACCGAAAGACAAAACGAGGTGCAGCACCAAACCTATGTTTTCTTCTGTGTTTGAA  
TGAAATCTATGATATTTTCTTGTTG

>trans\_c\_6098 NM\_001112199|Zea mays crs2 associated factor2 (caf2), mRNA gb|AY264369.1|  
Zea mays CRS2-associated factor 2 (CAF2) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AGGAGTTTGAGAGAATTTACAAAGCAACTGAACATTCTTATCCAGCATTTATCACATCAAGTGAAGAAGTCAG  
CAGTCCAGCTGACAGCCCCGAAAGTCAGGATCACTCTGAAGCCAACTACAACCTCCGATGATGATGTAGGTGCT  
GAAGAAGACCTTTTTGATAATGTTGACCCGTTAGTCCCTTAGGATCATTACCTGTTGATATTATAGCAAAGAA  
GCTCAGTTCTGAATAGATATGCATGGTCGCTTGATTGGTATTTGAAATATTCTTGTGTGACAAGTTGAGGAG  
GGAAAAGTTGAATATTTTGTGTATCTATTTGTAAATAAATTAATCAAACATTGAAACCGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6099 Novel Gene

AGACTCATAAGTGCTCTTTTCAGTTTCATTCTCTCTTTAGAGCTCCTCTATTCAATTGATTCTTCTTCATATCAACTT  
TTTAGTTTTCCACTAGGCGGGATCTCCGCGAAGCTGCAGGATGGCTTGGTAAGCAAGCAAGCAGTTATGTAG  
GCGCCAACTCCAAGTTCTTTCTTTCTTTCTTTTGAATTTGGACTTGGTTGGCAGGGTCAGGGCCTTTCTCGCTG  
GGCGAGCGCATCCGATTCTCAAGTCCTTTCTAAACCACTTCCCGTTCAGTTGCTGAAATCTCGAGAAAAGCTT  
GATAAATGAGATGGAGTTCCACGAATATGCAGGCTAGAAAGATGCTATTTGCTGCTATGAGAGGGAGTTGTG  
CAAATTGTTCCAGAGGTCGA

>trans\_c\_6100 EU293947|Hevea sp. Gillespie 4272 AtpF (atpF) gene, partial sequence; chloroplast

GGCGCTGGGCTGGCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCAGTAAAGACTAGCCGAAGGTAAAGTTG  
AAAAGCATTTCGCTCGGGCCCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTAGTTCTTCTGAATTTGAATTGT  
TTTCAAGATCCTCTGTTTTCGATTATCTAATAAATCACTTAACACTCCCTTTCCAAAAAATCAATACACCAAG  
CACTACGCTTAGATTTATTAGATTTGTTGCTAAAATATCGGTATTAAATCCGAACTCTCGGCGGATGGCCAGT  
AACCCAAAAGCCAGTTATCCCTGTGGTAACTTTCTGACACCTCTAGCTTCAAATCCGAAGGTCTAAAGGATC  
GATAGGCCACGCTTCA

>trans\_c\_6101 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

AGCCTAAAAGATCTTTTAGAAGCACATATCCGCCGGGGGACGATTGGGGCGTGGACATAAAGGTCTTTAT  
GACACAATCAATAATTCGCTTCATTTTCAATTAGGTCTTGCTTTAGCCTCTTTAGGGGTATTACTTCCTTGGTA  
GCTCAACACATGTACGCTTTACCTGCTTATGCGTTCATAGCACAAAGACTTTACTACTCAAGCTGCGTTATATACC  
CATCACCAATACATAGCAGGATTCATTATGACAGGAGCTTTTGCTCATGGAGCTATATTTTTATTATCTCGCGT  
GGGCCCAGAACAGAATGAGGATAATGTATTGGCAAGAATGTTAGACCATAAAGAAGCTATCATATCCCATTTA  
ACAACCCGGTCAAGGGGA

>trans\_c\_6102 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GGCTCCTGTCTCAGTAGAGTCTTTCTACCCATGTTTCGGTCCTCTTCCCCATTACTTAGAAAAAGTGAGCCACC  
GGTTCAGGTACAAGATACTATCATTACCGCCTGGACAATTAGACATCCAACCCGTAATCGCAACGACCCAATT  
GCAAGAGCGGAGCTCTACCAACTGAGCTATATCCCCCGAGCCAAGTGGGGCCTGCATGAAGGAGTCAGATG  
CTTCTTCTATTCTTTTATTCTTTTCTACCCGCATCGACCCGGTAGGACCTGAACTTGGTCTCTGGAGCGGGCACT  
TCATTTAGTAGCGTGGATGTGGTTCAAGGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATAT  
TCTTCTCTCCCCCTCTTGT

>trans\_c\_6103 NM\_112219|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT3G13690) mRNA,  
complete cds

AAGGCGACCTCGTCATGGATGCTAATTACTTGTCCACTCCCGGATACGATGTGGGAAACCGGAGTGGTCGGA  
TGTGGACTGAGCAACAGCAGCAGGCACAAAACCTACAGTGGCTTGTATCGGACGAGACTGTAGAAAGGTTCA  
ATGAAAAGGTGTGTGTTGAAAGTTTAAGACCAGGTTACTGGGAAAGAGACAAGACAAGGAGGACTTCAAGT  
GGAAGTGCATTGTAAAGTGGCTCAGCATTCTTAAGATATACATTGCACCCTTAGTCTGCTGAATTTGTACTTC  
CCCAATTAATTTTTTTGGGTAATTATTTTTCTCATTATAAACTTTTGGTTTGTGTATAGTAGTAGTATTAGTAA  
GTGAAAAATATGNGTGGGGGTTT

>trans\_c\_6104 AM489938|Myrcia pubipetala plastid external transcribed spacer, ETS, specimen voucher Lucas 86 (K)

CGAGCGGTCACAATCGATCGGTTCTTGCATCGGTACCTCACACGATGGAAGCGACGCGTCCCGTTGGCCCCTA  
AGACGTGACACCCATCTTTGGGTGGACAACGAACCCGATAGCCCGCATCGCGTTCCGCCTTGACATCTTCGGT  
TGTCATTGCGGGCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTCGGTGGCATGATAAGTCCCTCG  
AAACGTGTTGCCTTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGTATTGCTCCAATGCCACCCAATATT  
GCCAACGCACGCATAAAAGGGAAAGAGGTGTAGAGGCACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTT  
GTCTCAAAGATTAAGCCATGCAC

>trans\_c\_6105 XM\_002875190|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase family protein, mRNA

CCTTCTGCTCACGAGAAATCTCTTGCACAGAAGCTCATCTACTCCATGTCTCTCACCCACTGGGAAAGATCTCC  
GGCTTAGAGACCAGAGTGGACCTATTGAGATATTGGGGCATTAGATCGTTTTTCTGGCACAACCGTTGGT  
CAAAGAGATTGTGAAAGCTATCAAGTTGGGTATTGATCCGATTCCTGTTACAGTGGGCTTGAGAGTGCATAC  
TATTTTAGGAATGGGAAAGGTGAAAGTGTGGCAATTGTGAAGCCAACTGATGAAGAGCCTTTTGCTCCAAT  
AATCCAAAAGGTTTTGTTGGAAAAGCTCTTGGACAACCTGGTTTTAAACGTTCTGTGCGCGTTGGTGAGACTG  
GATTCAGTCTCCAACGGCGAAT

>trans\_c\_6106 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

ATGAATTTATGCGCTCTCTCCGTGGCACCGGTAGTAAGTACTATATGGTTCGGGGCTTTAGCGGGTCTATTA  
ATCGAGATCAATCGTTTATTCCCGGATGCGTTGGTATTCCCGTTTTTTTATTCTAGTTATTGACTTGAGAAGGG  
GTGAAGAAGGCCGAGAAAACAATCAAATATCTTGAATAATCCCTTCCCCCTTCTTTTTTTAGAGTTTTTAGA  
CTTAGAATAAGTTAGAAAAGATCAAAATGGATTCAACCTCAGTCAAACCTCGGACGCGGCGCCAGGTTCAAAA  
AATAAATTAAGAGTGAAGAACGAAAATGAAAATGTGATGGCTAGGGCAACAATATGTATGTTTTATGAAT  
TTACTTTTTGACATGTGCGA

>trans\_c\_6107 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

CCTTGACTCGATCGCTTTTGTCTTCTCTGGAAATATCTTGACTGGGCTCAATTTTTCTTCTGAAAATTACTGCT  
ACCGCTTCTTCTTTCTTCTTCCGTTTGATTGAGCTTCGTGACTAACACAAACACTTAACACAATAAATAGTAA  
ACGTGAAGCAAGCTCTTCTGAAGCACACGATTCTAAGAAAAGAGAGTGAACCATCATCCGGAGCTCTGATACA  
GAAATGTTCTTAGAGACATAACCAATCCAGAAAGATATTTGAGTTTCCTTGTACGCTCTGTTGAAGACTCGGA  
TGGAATGCTCTTTGAAGAATCGCTTCTACTGTAGCAACAATATCTTCATTAGACATGCTTCAGATGGACTGC  
CATGAGGAACTATAA

>trans\_c\_6108 EU002403|Datisca cannabina photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB) gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes, complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

CGAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACCTAACCCCCGTGTTCTCGAATGGATCTCTTAGTTGTTGAGA  
GGGTGGCCAAAAGCAGTATATAAGGCATACCCAGTAAACTTACAAGTAAACCAGATATAAAGATGGCAAC  
TAGGGTTGCTGTTTCCATTATTATATAATTTCAAGACCACAATGGATCTATAATAAGATCATTTATTTACAACGG  
AATGGTATACAAAGTCAACAGATCTCACTGACGCAGTTTGAATCCTTTGCATACGACTTAAATACGCGACAGG  
GTATTGTACTGTTGACGACCTGAGGAGGTTCTACCCCGTGGAACGCTCTTAATGGAACCTTAGCTTTAGCTG  
GTCGTGACCACTCCCACACC

>trans\_c\_6109 XM\_002887492|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* galactosyl transferase  
GMA12/MNN10 family protein, mRNA

CTGGGCTGGCTTAGTCGATAAGTATGAGGAAATGATTGAGAAGTATCACCTGGATTGGGCGACGAAAGGTG  
GCCATTCGTGACTCATTGTTGGTTGCAAACCTTGTTGGTAGCTATGGAGACTATCCAGTAGAAAGGTGTTTG  
AGTAGCATGGAGAGGGCTTCAATTTTGCTGACAACCAAGTTCTCAAAGTGTATGGATTTCGCCATAGGGGCC  
TTTTGAGCCCCAAAATCAAGCGAATCAGGAATGAGACAGCCACTCCATTGGAGTCAGTTGATCAAAACGATAT  
TCGGCGGCATGTTCTGCATCAAAGCAATGGACCTCCTACCAAGTGAGCAAATCACAACCTTGTGTGATTTATT  
GTAGGTGTTGTTGTATACGT

>trans\_c\_6110 GQ998380|*Heuchera sanguinea* voucher FLAS:M.J. Moore 329 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 6 protein (ndhG) gene, complete cds; chloroplast

TAACAGTTTTTGCTGATTTTAATCTTTGGACCGTTGGGAATGGAGTTACTTTCTGGTTTGTACAAGTATTTTTG  
TTTACTAATGACTACTATTGTAGATACGTCATGGTATGGGATTATTGGACTACAAGATCAAATCAGATTCTA  
GAGCAAGATTTAGCGGACGGCGACTGGTGGGCTGGAATTTATTTATCAACATATTTTTTTCTTCCATTTGAACT  
CATTTGCATCATTCTTTTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCAGTAATAAACTTTAGTTAGAA  
ATAGCATAATTTAACTTTGTTGTATGTTATCACACACATTCCCCTTCAATCTCGCCCAGGAGCCCCCAAAGAT  
TCTCTGGGGGGGA

>trans\_c\_6111 AY097348|*Arabidopsis thaliana* At1g67740/F12A21\_13 mRNA, complete cds

ATTACAGCCAGCACTCAACCAGATCAACAGAATGCGCAGTGACAAGGGTGTGATAATTGGGTAGGATTAGG  
TGGATTGACTGCATCAGGGTTTATGTACGCACCTGATGCTTCGGCCAGCGAGATTGCCATGATTGCCGATGCT  
TCTTCAAGCGATAGCAGGGGACAACCTTCTTCTGTGTGTCGTAGCACCCGCCATTCTTTGGGTGTTGTACAACAT  
TCTACAGCCGGCTTTGAATCAGCTCAACAGGATGAGGTCCAAGTGATTCCAATTTTTTGAAGAAATGTGATAGC  
AAACAAAGCACCTGTAATTGCAGATTACGTTAATGAATCTATTTTAAATAGCGATTATTAAGAAAAAGAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6112 AF134732|*Prunus armeniaca* 60S ribosomal protein L1 mRNA, complete cds

TGTTCCGGAATTGCCGCTTGTGATTAGCGACTCCGCTGAGGGTATCGAAAAGACCTCTTCGCCATTAAGGTG  
TTGAAGCAGGTCGGTGCTTTTCTGATGCTGAGAAAGCGAAGGACAGTCATGCCATTTCGTACTGGAAAGGGT  
AAGATGAGGAACCGTCGTTACATTCCACGAAAGGGTCCGTTGATTGTTTATGGTACTGAAGGTGCCAAGCTTG  
TCAAGGCCTTCGGTAACATTCCGGGTATCGATATTGTGAATGTTGAGAGGTTGAATCTTTGAAGTTGGCTCCT  
GGAGGTCATCTCGGAAGATTTGTTATCTGGACCAAACTGCTTTTGAGAAGCTTGATTCCATTATGGGTCGTT  
TGAGAAGTCTTCTGAGAAG

>trans\_c\_6113 GQ998313|*Gunnera manicata* voucher FLAS:M.J. Moore 325 cytochrome b6 protein  
(petB) gene, complete cds; chloroplast

AATGGCTCTATTTTACTGTACTACTACCAGCGCTCAGTAACGGTCGGACGGTAGTAAAAAGTCATAGCAAACCC  
CGTAGCTACTTGTACTAAAAACAAGTAAGCGTAATTCCTCCTAGACAATAAAATATGTTGACATGAGGAGGA  
ACGTATTTACTAGTTATATCATCTGCAATCGCCTGAATTTCAAGACGTTCTTGAACCAATCATACACTTTATTG  
AGATAGGTAAACCAAGGGGACCCCCCTCTGAGAACCGTATATGAGAATTCGTCTCGTACGGCTCAAACAGA  
AACACCCAAATACCGCTCGTAACGGATATGTGTACTAAAAAGTTTCAAACCTTCGGCAATGACCAATTGTGCGA  
ATCAACGGTTCCTCTCGT



>trans\_c\_6114 EF151304|Gossypium hirsutum alpha-tubulin (TUA8) mRNA, complete cds

AAAGAGAGCATTTCGTTCACTGGTATGTCGGTGAGGGCATGGAAGAAGGGGAGTTCTCAGAGGCTCGTGAAG  
ATCTGGCTGCCCTCGAGAAAGACTATGAAGAAGTTGGTGTGAAGGTGCGGATGATGACGACGAACCTGAA  
GATTACTAAGTGTGCATGGTGTCTTTATCCCCATAATTTCTTGTCTAGTTAAAGAGCCTGTCGTTTTCTTTATAT  
ACGCAATTCTGCTGTCTTGTAGTAAATTTGATTCTGTATCTTTGTGGCTCTATGTATGAAATCAGGAATATTTA  
CGCCAATGTTTAGACTGTAATTCTGTATTGTCTTGGATTGTGGATGGATCAATGTTATAATAGATAATTTGTAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6115 Novel Gene

AGCGATTCTTCTTGGTTAGAGATTTTGTTACTGACTATAACCCGAAGTCCAGACTCTTATTCTCAATGTTTCGGTA  
TCCATTCATTATGGTCGTAACCTTAGATGTAACATTGTTAGTGGCTCATTGGTGCACAAAGCAATAGAGCTATC  
AAAAGTGTAGTTTGTGCAATAGCAAATAGATGTAACATCACTAATGGCAACTAGGTTATACACACGTGTAAT  
TTATAGGAGATGGTACTTTTATTTAAGCATAGATTATTTTATTTTCATTTGATGGTTACGGACTTTTCAATTTGTA  
AGGATAAGGATTTAAATACTCAAATGGATTAAATGCCATCTTGGTTCGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6116 EU016728|Anethum graveolens ATP synthase CF0 subunit I (atpF) gene, partial cds;  
chloroplast

CCGCGACCGCCTGGCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCACTCGAAACTGATCGGCTTCCATTTCAACT  
TTTCCAAACGCTCGGGCCCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTAGTTCTTCTGAATTTGAATTGTTT  
TCAAGATCCTCTGTTTTCGATTATCTAATAAACACCCCAACTCCCTTCCAAAAAAATCAATACACCAAGCA  
CTACGCTTAGATTTATTAGATTTGTTGCTAAAATATCGGTATTAAATCCGAACTCTCGGCGGATGGCCAGTAA  
CCCAAAGAAATGAAAGAATCGGTTACATTTTTTCATATGATCTCCTTTATAGATAAACTAATTATCTATTTCTT  
TTCGGTC

>trans\_c\_6117 NM\_001186728|Oryza sativa Japonica Group Os03g0773150 (Os03g0773150)  
mRNA, complete cds

GTCATTTGAAGCATCTCAATACCCTCACAATCATGGGGCACTCCAACGTTTGGAACCTCATCCTAAGAACTA  
TGGCCCTGGTTCTCGCACTTGTCTGTGTGCGGAAATCCCATGGGTTGATCAGGAAGTATGGACTTATGTGT  
TGCAGACAATGCTTCCGCAGCAATGCCAAGGAAATTGGTTTCATCAAGTACCGCTAAGAAGCTAATTATCCCT  
AGAAGAGAGAATGGGTTGAATTTATATTGAAGAACGTTTCCCATGTTTTGCTTTTGTACTCCGTATGGAATA  
TGAAGTGATTGTTAGAAGACGTTTTTGACACTTTTGTCTGAACATTTAAAGTTTCTTAATTGAGCTTCTTGAGA  
TTATTTTGACGTA

>trans\_c\_6118 L43359|Pterosperma cristatum large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

GCGGGGATGAGGTGTGGGTAGGGGTGAAATGCCAATCGAACACGGAGATAGCTGGTTCTCTCCGAAATAGC  
TTTAGGGCTAGCCTCAAGATGATGAGTACTGGAGGTAGAGCACTGATTGGACGAGGGGCCCTATCGGGTTA  
CCGAATTCAGTCAAACTCCGAATGCCATAGACTTTGTTCTGGGAGTCAGACTGTGGGTGATAAGGTTTCATAG  
TCGAGAGGGAAACAGCCCAGACCGCCAGCTAAGGTCCCAAAGTGTGTGTTAAGTGGAAGGATGTGGAGT  
TGCTTAGACAACCAGGATGTTGGCTTAGAAGCAGCCATCATTTAAAGAGTGCGTAATAGCTCACTGGTCGAGT  
GACTCTGCGCCGATCTACTTG

>trans\_c\_6119 AY865171|*Lactuca sativa* chloroplast inversion region

TTGGGGGCGCTGGGCCTGGCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCACTCGAAACTGATCGGCTTCCATTT  
CAACTTTTCGTAAGCGAGCCCGGGCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTAGTTCTTCTGAATTTTGAA  
TTGTTTTCAAGATCCTCTGTTTTGATTATCTAATAAATCACTTAACACTCCCTTTCCAAAAAAATCAATACACC  
AAGCACTACGCTTAGATTTATTAGATTTGTTGCTAAAAATATCGGTATTAAATCCGAAACTCTCGGCGGATGGCC  
AGTAACCCAAAGAAATGAAAGAATCGGTTACATTTTTTCATATGATCTCCTTTTATAGATAAAACTAATTATCTAT  
TTCTT

>trans\_c\_6120 FJ595244|*Dimocarpus longan* triosphosphate isomerase-like protein I mRNA,  
complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTGAATCTGAACCATACTATAATTAGAACTCACAACATTTTGTCTGTATCAGAATTGAGA  
TGACCTCAATCCAATCATAAACATTGTATTGCCTCAACAGTGCCAAATTTATGTCAAATGCATCAAAAAGGAG  
AGAATACAAAATCATGATTATACAAGCATTGGGTCTCAACCTTTATTCCTCAAGCAAACAACAGTTTCCGCAAC  
ATATCCCGCTACCTAAAGGAAGATTAAACCATCTCGTCCTCAGGCCATTATGAAGATTTCCTTACCGTAGCA  
GACTTAATAATGTCAACAAACTCGGGCTTAAGCGACGCTCCTCCGAACAAAAATCCATCCAAGTCAGGTTGTG  
CTGCCAGT

>trans\_c\_6121 NM\_112452|*Arabidopsis thaliana* phosphatidic acid phosphatase-related / PAP2-  
related (AT3G15820) mRNA, complete cds

AGTGATAGCGTCGTTGGACATGCGACGGGTGCAACGGTGGGGGTTAGCTTGGACATTCGACATTCTTAACCT  
TCTTCAAGTTATTAGATTGTTGGGTACTAGAGGTCACTATACTATCGATTTAGCAGTAGGCGTCGGTGCCGGA  
TTTCTTTTTGATTCCCTTGCCGGACATTATGAAGCCTGCCTGCAGAGGAAGAACCTTGACAACAAGTTAGCTAA  
AACTTTTGCTTAATTGCTTCAAAACCCAACAAAAGATGATTAAAGATGGAGCCTTGAGCCCCTCCCCATTGGAA  
AATTTTCAATTAGTAAGGAACCTGGGTTTCGTTTTCTTCTTAAAAAAAAGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6122 Z11512|*L. luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

TTTTCATTCAAGAGTGCGACCTTACTCCCCAGGCGGAGTGTTTCACGCGTTAGCTGGGCCCCTGATCCGCCTA  
GACCAAGGGCGAACACTCATCGTTTACGGCATGGACTACCAGGGTATCTAATCCCGTTCGCTCCCCATGCTTTC  
GCACCCAGCGTCGGTAGGGACCCAGAGAGCTGCCTTCGCTTTTGGCCTTCCTTCGTAGATCTCCGGATTTAC  
CCCTACACACGAAATCCACTCTCCTCTGTCTCACTCAAGTGAATGGGTTTCGAGAGCATTCCACCAGTTTTTGG  
CGACTTGAACCTTCAACCCGATTACCCGCTACGTGCCCTTACGCCCAGTCATTCCGAAGAACAATTGCCCCCC  
CCGTCTT

>trans\_c\_6123 DQ673258|*Jasminum abyssinicum* psaA-psbB fragment, chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTATAACCTAAAATAAACTATTGTCTATTAATCGAGATCAATCGTTTATTC  
CCGGATGCGTTGGTATCCCCGTTTTTTTCACTTAGTTATTGACTTGAAGGAGGGTGAAAAAACCAAAAAAC  
AATCAAATATCTTTGACTAATCCCCTTCCCCCTTCTTTTTTTAGAGTTTTTAGACTTAGAATAAGTTAGAAAGAA  
TCAAATGGATTCAACCTCAGTCAAACCTCGGACGCGGCCAGGTTCAAAAAATATTATAAAAGAGTGAGA  
ACGAAAATGAAAATGTGATGGCTAGGGCAACAATATCATACAAAATACTTAAATGAAAACTGTACTGCGTCA  
TCGAATTGA

>trans\_c\_6124 HM048910|Tephrosia rhodesica isolate 17 photosystem I assembly protein Ycf4 (ycf4) gene, complete cds; chloroplast

TCATAAGGAATCGTAGGAAGATTCGACGATTTTTTCCAGGAAACCCCAACGAAAAATAGACACGCGGGCTTC  
TATTCTATCGAATCGATCATAACCGCTACCTACATTCCACAAACGTGTGCACCACAAATAGGAGCTAATAAAGA  
GACCGGCAATCCCATAGAAAGACATTACGATCCCCTGTGGAAAAAAATTATTTGCTGAGACGGAAATAAAG  
CTATCAAATCCCTACCAAGATAACTGGAAGTTCCAACCAATAAAAACCCTAATGAACCTAAAAAAGGATAAA  
GGCCAGCAGAAATTGCTGATTTTTTCGAGATCCTCTTATAAATTCTATCCATATACGTTCTGATCGCCAATTCAT  
ACTAGATCT

>trans\_c\_6125 NM\_001054943|Oryza sativa Japonica Group Os02g0799300 (Os02g0799300)  
mRNA, complete cds

CAAGTAACATCAGATGAATGAACTTATCAGTTGGTTTCATAATTAAATAAATATACATTGGAAGACAAAAAG  
ACACTCGAGAAGTGTTTAGTGTAAATATCATGAGTATATGGGATTGATATCTAGTTTCCTTGTTTCTCCTCTTG  
AGCTTTAGAAATATAGTGTTTAGTATAAACGCGACGTTGTAGTTTTCTTGTGTATATAATCCAGAAGATCCGGG  
AGAACATGCCAGCACTAGACATCAGAACCAACCCGACATATATCCATTTTGTGTATAGTTGAAGACCAGGGCA  
ATGGTTGTTACTGATATAGGTATATCCTTGTCGAACGAATGTACAGTTAACAAGTTCGTACAAGAATGGTCCAT  
AGCGTTT

>trans\_c\_6126 EU922227|Geranium carolinianum ribosomal protein S16 (rps16) gene, complete  
cds; chloroplast

TTACAGAAAGACCCTATGAAGCTTCACTGTTCCCTGGGATTGGCTTTTTTAAAAAGGACCAGTTCCAAGAAAT  
TAGAGGTTATGGTAAACTTCGTTTAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAGCCGTTTATCGAATCATTGCAAT  
TGATGTTTCGATGCCGAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGTAAAGTGGGTTTTTATGATCCGATAAAGAATCAAAC  
CTATTTAAATGTTCTGCTATTCTATATTTTCTTGAAAAGGGTGCTCAACCTACAGGAACTGTTTCATGATTTTT  
AAAGAAGGCAGGTGTTTTTACGGAACCTCACCTTAATCAATAACCGAAATTCCATTTTTATTAATGAAATAAAA  
AAAAAGAA

>trans\_c\_6127 NM\_123467|Arabidopsis thaliana myb family transcription factor (AT5G41020)  
mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGGAGACTGAAATTGTGGGAACATTCCATTTCTATGAATAAAAATTTATATCAT  
TAATTGTCAGTGAAGATCAATCATATGCTACATAACGAGGCTTGGAAACAATGTACATTGTTAGGTTCCAACTC  
CCTAAACACAGCTTCCACAGTCGTAAGGTAAAGATCAATGGAGTCCGAATGGCAAAAGTTTTCACTTCCAAGA  
ACACCTGCAAAAAGAAAAAGAAAAACAGAGAACAAAAACACGAAAGAGAAGCCTCAGATTATCGGATTTGACA  
GCAAGGCTTGAAAAGCCATTGAGCCCCGAAAGATGGTATTGTTAACCGATATCATCATCAGCACCAAGTTCGG  
GATGGATT

>trans\_c\_6128 U11638|Solanum tuberosum L. chloroplast ribosomal protein S16 (rps16) precursor  
mRNA, complete cds

AACCGAGTAATTTAGTCATATAGCGCACAACAATAACCCAATGACTATACATGATTCCATAAATGAATCAATT  
ACATACCAGTTCCAAGAAATTAGAGGTTATGGTAAACTTCGTTTAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAGCC  
GTTTATCGAATCATTGCAATTGATGTTTCGATGCCGAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGTAAAGTGGGTTTTTATG  
ATCCGATAAAGAATCAAACCTATTTAAATGTTCTGCTATTCTATATTTCTTGAAAAGGGTGCTCAACCTGTGA

AGGTCACCCCAAGAATTCAAGAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGG  
TTGTGGT

>trans\_c\_6129 AF384443|*Chaenactis santolinoides* NADH dehydrogenase subunit 4 (ndhD) gene,  
partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

CATAGTCAGAGGTGAAATTCTTGGATTTATGAAAGACGAACAACTGCGAAAGCAAACGGGGCAGTCATTTTG  
GGCGACAACAGGGCTAGCATTTAGCGGCTTGGCCAGTTACTCGAGATTCCCGATTATTCCATTTTCTAATGTTA  
GCAATGTATAGTGGTCAAATAGGATTATTTTCTGCTCGAGACCTCTTACTCTTTTTTATCATGTGGGAGTTAGA  
ATTAATTCCCGTTTATCTACTTCTATCGATGTGGGGCGGAAAGAAACGGTTGTATTACGTACAAAGTTTATTT  
TGTACACTGCGGGAGGTTCCATTTTTTTGTTAATGGGAGTTCTGGGTATCGGTTTAATACCAAGTAATGGGTTG  
TTCCCA

>trans\_c\_6130 AJ428413|*Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

AATAATTACGAAATACTCATGGTAACCATTCAAGCAGATGAAATTAGTAATATTATTCGTGAACGTATTGAGCA  
ATATAATAGAGAAGTAAAAATTGTAAATACCGGTACTGTACTTCACTGCTTATCACCGTAACGAGCATAAATAC  
CAGAACATGAAGTAATGGCAGGTGAATTAGTAGAATTTGAAGAGGGTACTATAGGCATAGCTCTAAATTTAG  
AATCAAATAATGTTGGTGTGTATTAATGGGTGATGTGGGTAGTGACAGGAGGGAAGTTCTGTAAAAGCAA  
CGGGAAGAATTGCTCAGATACCAGTAAGCGAGGCTTATTTAGGTCGTGTTATAAATGCCCTGGCTAAACCTAT  
GTCGTTAAT

>trans\_c\_6131 X54738|*L. esculentum* mitochondrion coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

CTGAAGAGGTTTCATATTCATTTTCATGACTCATCTGGAGTAGCTTAATTAGTCTCATATTCGTTCAATTCCACTA  
GTACGAGGGCCCCCTCTCTGATAAGGAAGGAAAGGAAAGAAGAAGAAATTTGACGATCAATCTGGTCCGATGG  
CTGTTCTCCACTAACCACAAGGATATAGGGACTCTCTATTTTCATCTTCGGTGCCATTGCTGGAGTGATGGGCAC  
ATGCTTCTCAGTACTGATTCGTATGGAATTAGCACGACCCGGCGATCAAATTCCTGGTGGGAATCATCACTTT  
ATAATGTTTTAATAACGGCTCACGCTTTTTTAATGATCTTTTTTATGGTTATGCCGGCGATAGCGAGTGGATTG  
GCGGC

>trans\_c\_6132 AY133660|*Arabidopsis thaliana* At1g59710/T30E16\_31 mRNA, complete cds

ACGATCAGACTGCGAAGCCACCACAAGAAGTATTTATCCGCTGATGAAGATGAGGAATCCGTCGTTTCAGGAC  
CGGAATGGATCATCCAAGAACGTTAGGTGGGCGGTGAGTTTCGTTTCCTTCTCTGATGCTATTATCCGCCTGA  
AAAGCTGTTATGGGAAGTACTTAATGGCGTCGCCACAGCCGTTCTTGCTTGAATGACTGGGCGGAAGGTTAT  
GCAAGCTCGTCCTGAACGTTTGAATCATCGCTTGAGTGGGAGCCGGTTAAGGATGGCTCCTTCCTTCGTCTC  
AAAACAAGGTACGGTAATTACTTGAGAGCTAACGGCGGTGTTCCCCGTGGCGGAACTCGACCGTCTGCATAT  
ATAATACGGC

>trans\_c\_6133 AY555313|*Stephanandra tanakae* isolate 162 external transcribed spacer and 18S  
ribosomal RNA gene, partial sequence

CAATCGATCGGTTCTTGCATCGGTACCTCACTCGATGGAAGCGTCGCGTCCCGTTGGCCCCTAAGACAGCTGT  
GGGTAGAAAAACAAGTGGTAGGTTTAGCGATTTATGCTATATCCGCCTTGACATCTTCGGTTGTCATTGCG  
GGCCGCGTCGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTCGGTGGCATGATAAGTCCCTCGAAACGTGTTG  
CCTTGCTCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCCGATTGCTCCAATGCCGTTTGGCGTTGGCATGCATG

CGGCCAACAAAGGGGTGATCTCCGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAA  
GCCATGC

>trans\_c\_6134 NM\_001187017|Oryza sativa Japonica Group Os04g0431700 (Os04g0431700)  
mRNA, complete cds

GGGGTTCCAAACAGTACCAAACCATCCAAACCCCAAAACCCCTTCGAGGATGGAAAGGGAGCGAACGGCGACA  
ACGTATGTTAGGGTTCGGGCCTCGGAAAAGAGAAAGAGAATTGCCATGCAAATGCTCTTGAAGCGGCGATT  
CACATGTGGATTGCCTAAACCTGAGGGAAACCTGATGGTATATTACAACAGTAATTATATAGTTTTCAATCTGA  
ATCTTATACAATTGCTGCTCGCATTTTCGCTCTTCCCTCTCTTCTCCGTGCCATCACTTCTCCGTTGCTTTCCTC  
ATTGCTCCCTCCGAAGTCTCGTGATGACGCTTTTCTGAAGGCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAA

>trans\_c\_6135 Novel Gene

AAAATGCTAGGTTGCACCTCTCCGTGAGAGTCTGATTCCTTGCCGTAGGTTTAGAGGTAGGCTTTTTTCCAAC  
ATAAATAGTATTTGGATATATTCTTTGAGTGGTCTCATTGATAAGGACATATTCATATCAAGTCCTCCGGATA  
TAAAGGTTAGGAGTCTTGACCCTGATTTACCCCTTATTCAATCTTAGAGAAAGCAGTGTTGTTTGATTAGTAAT  
GTGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGTGTTTGTGTATATTTTGAGAACATTACCTTAACCAAT  
GGAAGGGATTGTCAATGTGTTGTGTTGACAAAAAAAAAAAAAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_6136 NM\_001054914|Oryza sativa Japonica Group Os02g0794700 (Os02g0794700)  
mRNA, partial cds

ACAGCGGTTGGCATAGTCAGACACGTCTCCGTCTTCCACTCTTCAACCTTCAAATGGCTTAAGAAGCATTCTTC  
TGAACCCACTCGACTAATGCGGCAACACCGAACCTGTTGCAGTGCGTTTCTTGCTCACTGAAGACAGGGCCAG  
CTACGTCAATGTGCATCCATTGAACTTTCTCATCAACAACTGTTTCAAAAACAGAGCAGCTGTAATGGCACCA  
CCTGGACGACCACAGTGTTGACCATATCAGCCACACTTGACTTCATTGACTCCCAATAACTATCCTCCATTGG  
CATCCTCCAAAATTTCTCGCCACTGATTTCTGCAGCAGCCAATACCTCTTTTGCGAGGTCATCACTGGGAGTAA  
AGAT

>trans\_c\_6137 AP009366|Aethionema cordifolium chloroplast DNA, complete sequence

GGAGGCGTTTCAGCATTCTGGTATGTATGGGGACTCACAACCTGCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGT  
GACCTGATGACAGGACAGGGTGCGACCGAAGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAAACAATAACGGTCCTAAGGT  
AGCGAAATTCCTTGTCGGGTAAGTTCCGACCCGCACGAAAGGCGTAACGATCTGGGCACTGTCTCAACGAGA  
GACCCGGTGAAATTATACTATGCGTGAAGATGCGCATTACCCGCGACAGGACGGAAAGACCCCGTGAGCTT  
TACTGTAGCCTGATATTGAATGTTTGTGCAGCTGTACAGGATAGGTGGGAGCCTTTGAAGCACAGATATCGT  
AGGCATGTTGAAT

>trans\_c\_6138 AY162180|Populus tremuloides cellulose synthase (CesA7) mRNA, complete cds

AAAGACTTCAAGTAATTAAGCATGAGGGTGGCGGTGGGAAAGGTGACGATGAGCTCGATGATACAGATTTG  
CCTATGATGGATGAAGGGAGACAACCACTCTCCAGAAAAGTGCCTATCCCCTCAAGCAAGATAAACCCATACA  
GAACTAAACTGTACTTCGTATTGTCATCCTTTGCCTCTTTTTCCACTATCGTATTCTTCATCCTGTCCATGAGGC  
TTATGGGCTGTGGTTAACATCAGTAATCTGTGAGATATGGTTTGCTGCATCATGGATATTGGATCAGTTCCCAA

AATGGTGCCCCATTGTTCGAGAACTTACCTTGATCGGTTATCGTTAAGGTACGAATGCACGTTACCCGGTATA  
ATTA

>trans\_c\_6139 HM627262|Populus suaveolens miR168a microRNA locus genomic sequence

CTCTCTCGCTCTATTTTTTTTACCCTCTTGTCTTCCCCTCCCCCCCCCCCCCTCTCTCTCATGGCGATGGCGAT  
TTTTTCTCTCTGCTTCTTTTTGGTTCAAGTCATCGGCGGTCTCTAATTCGTTGGTGCAGGTCGGGAAGTGT  
CGCTTTTGTTCACGTTGATCTTGATTGTTGTTGTTCTTTCAATTCCTCTGCGTTGTTCAAGGGAAATATATAT  
GTGTGTGTGTGTGTGTAATCGAGCGAATTGGATCCCGCCTTGCATCAACTGAATCCGAGACAGCGATGAAGAT  
TTCATGGATCTAGCATCTTTACCTGATGCAGTTTCTTTGAGGTTTGAATTGTTTTCGTCCTATAATTTAC

>trans\_c\_6140 EF151160|Populus tremula x Populus tremuloides xyloglucan endotransglycosylase  
precursor, mRNA, complete cds

GAGCACAGATTGAAACTTTGGTTCGATCCAACCTCAAGATTTTCATTCTTATTCCATCTTTTGAACCGTCGTCAA  
GTCATATTTCTTGTAGACGAAACACCAAGTACGAGTTCACACGAACATGGAAGACAAGGGCGTACCATTTCTG  
GAGACCAATCCATGGGAGTTTATAGTTCAATATGGAATGCTGATGATTGGGCCACACAAGGCGGTAGAGTTA  
AAACTGATTGGTCCCATTCTCCCTTTGTGGCATCTTACAAGGGCTTTGAAATCGATGCATGTGAGTGCCCTTCT  
TCTTATGCCACTGGAGGAGGAGTTGCCAACAACTGCTTGTGTAATGGTAGTGCCGCCGATGATGGTCGTG  
TTAAC

>trans\_c\_6141 AY042829|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T3M22.5) mRNA, complete cds

ATTTTCGCGGAAAGACAGGAAGAAGCTGTAGCAGTGGACGAGAAGCAGCAATGGCCGCTGTACAGTGCACA  
AGCTTCTGCAAAACATTTAGCACCACAAGAGCTTTCTCCCTTCTTCATTTACCCTTTCAATTTCCCGTACGAGTT  
ATCCCACTTTGAAAGCTTCCAGTTCATTGCTGAACCTCTCGATCTCCAGGTCGAATAGGGTTGTTCCGGCTGTG  
ATTGCAGAAGAGAGTGTGATGGGGCGACTGTTTCTGCCACTGATGCGTTCAATCTAATTATCTGGAGGGAA  
ATAGTTGGTTGTGGGAAGTGGGCGGATTAAGCATTTTGGTAGATCCTATTTTGGTTGGTAGTCTTGATTTGG  
TATCT

>trans\_c\_6142 Z82983|C.sinensis thi mRNA

GGTTTGGTGTGTTTATGATGATCCCTACCTTATTGACCGCAACTTCTGTATTTATTATTGGGGCCAACGTTCCGGGC  
GATGATGATATCAGGGCAGAAGGCGGCACACTTGGCACTAAAGTCATTGGGAGAGGCGAACAGCATTGGAG  
GTGAAGGAGAGATGGGAGAAAGAAAGGTTGGACTTGAAGAGGAAGAGTTGCTACTGGCAGCGGGAGAGTC  
GCCGGAGGTTGCAGACGCTTAAAGTTTTTAATGGCGGGCGGATGTTGATTTGGAAGAAATATTTGCTTTTGGG  
TTTTATGGTGCTGTTTGTGTTTGTAGTGAGTTTTCAGTAAACGAAAAGGGGGGTTGGTTGTGTTAGGCTTTT  
TAATACAA

>trans\_c\_6143 X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

AGGTCTTTACGAAGATAACGCGTGGTCATATATCTCACGTTTCTCTGGATCACTCAGCACCTCGTAGGCTTGTG  
CTAACTCCTTGAATTTTTCGGGGTCGCCACCTTTATCAGGATGGTTCTTGATAGCGGCCTTTCTATAGGCCTTCT  
TTAGATCGTCTTGCGACGCATTCTTTGAGACTCCAAGAATCTCGTAATATTTGGTATTATCGCTCTTCTTTGGCC  
TTCCAAACATCTTTGCCTAGACGATCGGATCTCAACAAACCCTTAGAAGAACAAGGTCGATCTTGAAGTG  
AAAGATCGGGTAGAGAGATCGGTGACCTGAGAGCAGAGAACCCAAAAGGAACGGTTCGAGACGGCGAGGT  
AGA

>trans\_c\_6144 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

AGGGCATTATAACACGACCTAAATAAGCCTCGCTTACTGGTATCTGAGCAATTCTTCCCGTTGCTTTTACAGA  
ACTTCCCTCCTGTGCACTACCCACATCACCCATTAATACAACACCAACATTATTTGATTCTAAATTTAGAGCTAT  
GCCTATAGTACCCTCTTCAAATTCTACTAATTCACCTGCCATTACTTCATCAAGACCATAAATACAGATGTACGG  
TGATAAGCAGTGAAGTACAGTACCGGTATTTACAATTTTTACTTCTCTATTATATTGCTCAATACGTTACGAAAT  
AATATTACTAATTTCTCTGCTTGAAGGGTTTGGAGGACCGACAGACTGCACCCCTCAAGAAGGGAACACT

>trans\_c\_6145 NM\_001190114|Oryza sativa Japonica Group Os12g0596101 (Os12g0596101)  
mRNA, complete cds

AGAACACAAAAAGAAAAGAGAGGGAGAGAGAGAAAAGAGAGAGAAGAGAGAAAAGAGAGAGAGATGTGTATGC  
TAGTGGTTTGTAAAGGATTGCAGCAAATATACATGGAAGGGGTGTGGCCGCCACCTTCTGGTCTCTACAAGAG  
CGTAGAGAAGGGGAAGCACTGCCATTGCCGCCCTTGGCCGGGTGTCGTCGTGCCACCGGAAGATGTCCCCGG  
CTTGAAGCCATCGAACGTGCAATCATCTGTCTCTACAGGTATGCTCTTCTGGTATATGAACTACTCAACTC  
GTTTGAATAACATCTTTATTTTGAATGAAATATAGGGTTTAGAAACGTTTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAA

>trans\_c\_6146 EU002445|Quercus nigra photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB),  
photosystem II protein T (psbT), photosystem II protein N (psbN), and photosystem II  
phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGGGCCTTCCCTTTTTTTTTTGAAGTTATTTAGGGGTCTTGTGAATC  
GAATCTAATTGCTTGAAATTCGTCAGTAAAATGGAAGAATTATAAATCTCCAAAATAATACATAGGAATATC  
GCAAATAAACCCATCGCGACACCCATTAAAGGTGTAGTTCCCCACCCAGGAGCCACTTTACCATATTCCGAATT  
CAATGGTTTCAATAAATCCCCTACAACAGTTTCGTCTTGGCCCAGATCTAGAACTATCGTCAACGGTTTCCCACT  
GACCCACCCCTAAAACCAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTT

>trans\_c\_6147 Novel Gene

GACCCTTTTATTTTCATCAATGTTATTGTAACTTGTACAGTTCACCCTCTTGGCTCTACCCATGAATTATCTAG  
TAATCGGTCTTTCACAACGAGATCTACCTATACAGTAACGGTATTTAATTATGAAGATTGGTTGGGTAGCTGAC  
CCTCTTAGTCCGTTCTTGTAAAGAATAAGGCTATAATCCTTCTGTAAATAGGATTTCTCTGCTTAATGGATAAG  
CATTTGTTACCAATGGGGAATTCTTCTCATCTAAAATTGAAAATAGAGATGATTGGATTGACCAATAGAAA  
CCATAAATTTGATACACAATAAAAGGATATGATAAATCTTGTGTTATTTATTTTCGGCGACTCCACCCG

>trans\_c\_6148 GQ984144|Castanea mollissima aspartic proteinase 2 mRNA, complete cds

ACCAGACTCAAGCTTTTTATAGCCGTTCTTTCATTTGCTTCCTTATGTTTCCAATGGTTTTTGTGCATCCAATG  
ATGGGAAGGTTAGAATTGGACTTAAAAGGAGGAAGTTTGGCCAGAACCACCGAGTTGCTAGCAAGATTGCAA  
CCAAGGAAGGAATTTCTTTGAAAAAAGACAACCTAATATCAACCTAGTGCGAATTTGGGAGATTGCGATGA  
TTTTGATATTGTTGGATTGAAGAATTACTTGAATGCTCAGTATTTTGGTGAGATTGGTATTGGTACTCCCCCTCA  
GAAGTTTACTGTTGTTTTTGACACTGGTAGTTCAGTAAACACCCAAGGTACATCCAAGTGCTCTCTACAAT

>trans\_c\_6149 AB237912|Nicotiana glauca chloroplast DNA, complete sequence

ACATTTTGGATCCGATCGAAATAGGATTTGGTTTGTGTTATTTTAAATCTAACTATGTCTAATATATGTAATTT  
TTCATCTTCTTGGATTGGAAAAGGGTGACACACAGCCGATCGGTTGATCTATTTCTTTATCTCCCCATGAATC  
GTATGTTTGTAAACCCGGGGACAGAATTTCTCAATCCAATCGACTAGGCGTATTGTGTCGATTCTTTGAGT

AATATATCTGGAAATCCCTATTGATTCCTTATTAACACCGTTTCGAACACAACGAGTACATTCCAAAATAACAG  
TTACTCGGGCATCTTTACCCTTGGCCATGAACCTCCCTTGGATTTTTGATTCACGCAACTCTTCCATTT

>trans\_c\_6150 Z11512|*L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

TAGGGTACTCATCAGGCCCGCATCTCACAAACGCTTGTGACACAGAAGGAACGCTAGCTATATGCTTAACACA  
TGCAAGTCGAACGTTGTTTTCGGGGAGCTAGGCAGAAGGAAAAGAGGCTCAACGCTTTGTCTCGCCTTTCAA  
GGTGGGAAGAGTTGAGAACAAAGTGGCGAACGGGTGCGTAACGCGTGGGAATCTGTATCCACTGGTAAATT  
GGGCAAGTCCTCCCTAGCCCCCTATAGTTTTGATGAGCCTGCGTAGTATTAGGTCGTTGGTCAGGTAAAGGCT  
GACCAAGCCAATGATGCTTAGCTGGTCTTTTCGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGTGTGCCGGGCTCAGA  
AGCAG

>trans\_c\_6151 AJ414385|*Pisum sativum* mitochondrion cox2 gene for cytochrome oxidase subunit II

AGTGTAGGACTCCCCCTCTCTCTAAAGGGGCTTATGCACGGAACCTCTGTCTACTAAAGAAGCGTTAGAGC  
GAGCGAGTTCAGCCTGAAATTGAGTGGTCTCCCTCCTTTCCCTCACTGAGATATTCTTCTTTCAATTTCCAATTA  
AGCTTCCCCAGGGATTAATTGATTGGATACCCAAGAACCATAATCTTTCCTAGAACTGCTTCTACGACGATAG  
GCATAAAGGCATGATTAGTTCCACAAATCTCACTGCACTGACCATAGTAACTCCTTCTCGTTGTACCAAAATG  
GAGATCTGATTTAAACGACCAGGTACAGCATCACATTTGACACCTAAAGAAGGTACAGCCCAACTATGAA

>trans\_c\_6152 AJ400848|*Spinacia oleracea* complete chloroplast genome

TTAGGAATTGATTATACATTTTTTTTCTGGTCAGATCAATAAGGTCATGAAAAACATTTAGATTTATTTATCTC  
TTTTTACTACATATAATGGATTTGCCTGGACCGATACATGATTTTCTTGTAGTCTTGTGGGATTAGGTCTTAT  
ATTAGGAAGTATGGGAGTACTATTATTTAACAACCTCATTATTTCTGCTTTTTCGTTGGGACTGGTTCTTGTTC  
TATATCCTTATTCTATATTCTAGCAAACGCCAGTTTGTAGCTGCTGCGCAACTCCTTATTTACGTGGGAGCTAT  
AAATGTTTTAATCATATTTGCTGTGATGTTTCATGAAGGGTTCAGAATTAGAAGGTTACGTCCGACTA

>trans\_c\_6153 GQ227682|*Bruguiera gymnorhiza* glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase (GAPDH) mRNA, complete cds

CATCAATATGGACGCAAGGATTCCCCACTTGATGTCATTGCCATCAACGATACCGGAGGCGTCAAGCAAGCTT  
CTCACCTCCTCAAATACGACTCCACCCTTGGCATCTTTGAAGCTGATGTGAAACCTGCCGGAGATGAAGCCATT  
TCAGTCGATGGCAAGATCATCAAGGTGGTTTCCAGCCGCAATCCTCTCAACCTTCCCTGGAAGGACTTGAAAA  
TAGACTTGGTGATTGAAGGAACTGGAGTGTGTTGATAGAGAGGGTGCAGGGAAGCACATTGAGGCTGGA  
GCTAAGAAGGTCCTAATTACAGCACCTGGGAAAGGTGACATTCCAACCTACACCACCAAAACCGGCATAGTTC  
TAC

>trans\_c\_6154 AF403444|*Lycopersicon esculentum* beta-mannosidase enzyme mRNA, complete cds

TTTGGTACGAACCTCTTACTCATTCAAAGGCTGACAACTATGCTGCTCAAAGAGCAAGAGATTTCCACGTTGGA  
TGTTTTCTTCATCCTATTGTATATGGTGAGTATCCCAGAACGGTTCAAGAAATCGTGGGTAATAGGCTGCCTAA  
GTTCAAAAGGAGGAAGTCAAAATGGTAAAAGGCTCGATAGACTTCGTTGGGATAAACCAATACACGACTTA  
CTACATGTATGATCCACATCAACGAAAAGCTAAAGTGCCTGGCTACCAACAAGACTGGAATGCAGGATTTGCC  
TATGAGAAGCATGGAGTTCTATTGGCCCAAGGGCTCATTCTTATTGGCTATACAATGTCCCATGGGGAATGT

>trans\_c\_6155 FJ652103|*Prunus dulcis* lipid transfer protein 3 precursor, mRNA, complete cds



ACGTGACGGGCGGAGGATCCCCGTCATTTAACTGTTGCAGTGGTGTGAGACAGTTGAACAAGGCAGCTCAGA  
CAACGCCGGATAGACAGGACGTATGTCGATGCTTGAATCATTGATCAATGGCGTTACGTATAATGGCCAAAA  
TGTTGCCAATGCTGCTGCTCTTCCGACCAAGTGTGGCGTCAATCTTCCCTACACTATCAACCCCAATGCCGACT  
GTAGCACCATTAAAATGTGAGGAAAATCAAGCAGCTACACTGCAAGACGATGTCGTATCGATGGAAGAATAA  
ATGGAGAGAGCATTTTGCTATGAACAAATTATGAACTTTGTTTTGAAATATTGTCTACTTGAAAACCTTTGT

>trans\_c\_6156 XM\_002305878|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS48),  
mRNA

CGTCACGACCGCCGTCAGCTTCACGGTGACCTTCCCTTTCTGGCGACCGGAGAGAAGATGGATTAGGTTTCATG  
TACTGACCGCCTTTTCTATATCGAAATCCACAACGTGCAATTTCCGATCCTCTTCCCAATCGCCTCAAGAATC  
GCGAGATTGCGCGCCATGAAAGCGAGCTTGAAGCAAGGAGAAACATCATAAGCAACTGAGTGGCGGCCGA  
GTGCTCATCGCCGTAAATCTCCACCACCGGGGCGGAAATTCCACAGGATTCACCCGCGATTTGAGAGCCAAA  
ACCATATACTCCGCCAATCTCTGTACAGAGTTACCTCTGGCATTGCAATCTTAACCACCGGCGCAAGAATC

>trans\_c\_6157 NM\_001054980|Oryza sativa Japonica Group Os02g0805900 (Os02g0805900)  
mRNA, complete cds

TTCCTTTTGGCGATCTTCATCGTACCACATAGCCATGGGCAGCCTCCATCTGCCCTCTAACGCTCCCGTCAAGAA  
CGGCCTTCCACCCCAAGAACTTCTCGATGATCTTTGCAGCCGATTTGTCTTAAATGTGCCAAAGGAAGATCTAC  
AATCATTTGAGAGGATTTTGTCTTAGTTGAATATGCCCATTTGGTTCTACCAAGACAACCTCGGTAGAAAACAAT  
CCTTCACTGAAGTCCTTCAATTTGAAGGAGTTCAGTGTGTATCCTAAGCATCATGTAATCCATTACCTTA  
ACAATGTGCTTGGATGTTGGTTTCAATGTTCTGTTTCTATGGTAAATAAATGCAACTCTATTTATT

>trans\_c\_6158 AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

GCTACGGCTCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGGCTCATTCTTCTAGGACTCGAAA  
CTTATCAACTATTGTATCATTCCGTACCCAACTGGGTCTGGTTTTCCGGAGGGTAACAGGTTTCGATCTCACT  
GACGACACAACCCTGATACTCGAGGATTTGGCGATGATCTTCAGGAACATCAGGAAGGACAGCGACAATGAG  
AGGGTAGGCGGCTTTGACCTTTCTGAGACCCTTTGCCAATCCAACCTTCCAGTAGTCACCATTACCAG  
CTAAGAACGTCACGTACGCCCTCTTGGGAGCGTCAGTTGACTCAATGGCACTTTCTGGGGCAGCTGCAGG

>trans\_c\_6159 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CCAAGGGCCAAGCCCCTTCTACCGCAACCGAAGAGGGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGCTCCTTTACTTTC  
AAGAACTCGTATACACTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAG  
GGAAGTTGTGTCTACGGCATGGACGTATATGTAAGTGCGTGTTCTAATCGTGCCAATATAATATCAGCCCAGG  
TATTAATTACACGACCTTGAACCTCCCCCGAACACAGCTTACAACCTTCATCGTACTGTGCTCTCCAAAGAGCA  
ACTCTTCTCAAATCTCAAAGGTACTGAGCCGGCGCTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCT

>trans\_c\_6160 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

GTGCAAAGCTCTCACGGACAGAAAAAGATTGCAGTCGATTTGATAATGATCGAGTGACATTGCTTCTTCGGCC  
CGAACCCAGGAATCCCTTAGATATGATACAAAATGGATCTTGTTCTATCGTTGATCAGAGATTCTCTATCAAC  
AATACGAATCGGAGTTTGAAGAAGGGGAAGGAGTCTCGACCCGCAACAGATAGAGATAGAGGAGGATTTCT  
TTCAATTACATAGTTTGGGCTCCTAGAATATGGCGCCCTTGGGGCTTTCTATTTGATTGTATCAAAGGCTCAA  
TGAATTGGGATTTCCCTATTGGGCTAGGTCATTTGGGGCAAGCGGATCATTTATGATAAAGAGGATGAAA

>trans\_c\_6161 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

TGTCTCAATTCATCCTATTTTCATCAGATCCGGGATGTGATATGGTTCCGAAGGATGAACTGGATATGGACAGTT  
CCAATAAGATTTTCATTCTTGAACAAAAATCCATTTATTTATTTATTTTCATCTATTCCATGACCGGAACAGGAGGG  
GATACACGTTACACCACGATTTTGAATCAGAAGAGAGATTTCAAGAAATGGCAGATCTATTCACTCTATCAATA  
ACCGAGCCGGATCTGGTGTATCATAAGGGATTTGCCTTTTCTATTGATTCTACGGATTGGATCAAAAACAATT  
CTTGAATGAGGTATTCAACTCCAGGGATGAATCGAAAAAGAAATATTTATTGGTTCTACCTCCTAG

>trans\_c\_6162 NM\_001054484|Oryza sativa Japonica Group Os02g0720100 (Os02g0720100)  
mRNA, complete cds

AAAGCAACCCATTCTCTCTCTCTCTTTCTCTCTCTCCAAAAAATTAATAAAATACTCTTTTTCTTAATTCTCA  
TCTTTTTTTTCTCCGTTTATTTTGTTCCTACTCCGAAGAAATCGAGAGAAGAGAGGATTTCCATATCAGATTAA  
AAGCTTCAGCCCCTAGCCATGGCAGTGGCAATGAAGAAGCTGGTGGCGGTTCTTACAGTGGCATTGTGTTTGA  
GAACGGCGGTACCGGTTGCCGAAGTGGAAACGCACCATGTGGTTGGCGGCGACAGGGGATGGGACGTCGAT  
TCGGACATCGGTTCTTGGTCGGCCGGAAGAACATTCAGAGTGGGAGACAAAATTTGGTTCGCATACT

>trans\_c\_6163 AY260042|Jamesia americana 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AGAACTTTGAAGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTCCATGTGAACGGCACTTGCACATGGGTTAGTCGATCCTAAG  
AGACAAAAACCCAAAACCTTCTGCCGCGCAACAGCGCAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAATTCCTGAAC  
CGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACGTAAGGGATTCCGGAGACGTGCGCGGGGGCCTCGGGAAGAGTTATCT  
TTTCTGTTTAACAGCCTGCCACCCTGGAAACGGCTCAGCCGGAGGTAGGGTCCAGTGGCTGGAAGAGCACC  
GCACGTCGCGTGGTGTCCGGTGCGCCCGCGGCCCTTGGGGGGCCCGGAGGACCGAGTGCCTCTCACGCC  
GTG

>trans\_c\_6164 GQ997942|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

CAGGAATACAACAACGGATTGGACCTGAATATGCTGGTCCTTTGGGAGTTCTTCAAGCTTTAGCAGATGGTAC  
AAAATACTTTTTAAAGAAAATCTGCTTCCATCTAGAGGTGATACTCGCTTATTCAGCGCAAAGTTGCTTGCGA  
TGACTGCGCTGGCGGGCATAAGCTATTTAGTAATTCCTTTTGGTTATCGCCTTGTTTTAGCCGATCTACCTATCG  
GTGTTTTTTTATGGATTGCCATTTCAAGTGTTGCTCCCATCGGACTTCTTATGTCAGGATATGGATCCAATAATA  
AATATTCCTTCTTAGGTGGTCTACGAGCTGCTGCTCAATCACCCACCGCAGGGCGTTGCCGGTC

>trans\_c\_6165 AB112080|Nicotiana tabacum mRNA for 24K germin like protein, complete cds

CTTGTTTGGAATGAGTTGCCAACTGATATCGTCGCAAAAACAACATTCTTGGATGCTGTTACTATCAAGAAGT  
TGAAGGGTGTTTTGGGTGGAAGTGGCTAAGAGATTTAAGAATGAGATCGTTGGTTTTTTTAGAGTTTGGTT  
TTTCTTGTTAAGGTTGTTTTATGTGTGTTTGTTCGTGTAATTTGGGGGTATGTGTTTGTAGTTTTTTGAGTTTTG  
AAAGGTTAACTGTCCAATCATCATATCATGTGTGTGGTGATTGTATGATGTGTATGGTGTAGTTTCTAAG  
GTTATATTATCCATTCAAGTTTTCTTACCCTAATTTTTTAGAATTAAGTGTCCAATCCCTCAAGT

>trans\_c\_6166 DQ785833|Cucumis melo subsp. agrestis ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase large subunit gene, partial cds; chloroplast

TCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGTCGTCGATCATCAGGACTCCATTTACTAGCCTC  
ACGGATAATTTCAATTACCCTCACGAGCAAGATCACGTCCCTCATTACGAGCTTGACACATGCTTCTAGAGCTA

CTCGGTTAGCTACGGCCAACTTGTACGGCAAAACCTTTGTAAAACCCTGGAAGAATAATCCGTGTAGTACAGA  
ATCATCTCCAAAAATCTCGGTTAGAGCAGGCATATGCCAAACGTGAATACCACCGGAAGCCACTGGCAGAACA  
CCTGGTAAAGAAACCAATCTTGAGTGAAATAAATACATATTAGAGATTGAGGGGGACCGCCCCGAT

>trans\_c\_6167 AB082376|*Pisum sativum* mRNA for elongation factor EF-2, partial cds

GAGCAGGGAGCTGCTGCCCTCAAGAGAGCAGTACTTGCTGGTAGCCATGTTTGCATGACCCGCTTCATCAATG  
GTTTGCCCATCAGATCCTTCTCATCAGACTTCATGACAACACCAAGCTTCTGCAACATGGGCCATAGCTTGTCTT  
TCTGATCGTTCATGCAAGTTGCAATGATCTGCTTGATAGGTTCTGTAGCAGAACTGGACAAACCCACGCTTGCAT  
GTTGGCGAGCCAGTGTTCTTGCTGGTCCACTTCTTGGTTGCAGGATCAAAGAAATCTCACCCCAAAGTCTCTC  
CATCATCTTTGCCTCATCTACTCCAACTTGGAGGCATACATCTTGGCAAAGTTTGTGAGGGT

>trans\_c\_6168 AB248117|*Zostera marina* ZmVHA-B1 mRNA for vacuolar H<sup>+</sup>-ATPase subunit B,  
complete cds

GGAGATTGTTAATATTCGTCTAGGAGATGGAACAACCAGGCGTGGTCAAGTCCTGGAAGTGGATGGGGAGA  
AAGCTGTTGTTTCAGGTATTTGAAGGAACATCTGGAATTGATAACAAATATACAACCGTGCAATTTACAGGAGA  
GGTTTTGAAAACCTCAGTCTCCTTGGACATGCTTGGGCGAATTTTTAATGGTTCTGGAAAACCCATTGATAATG  
GTCCTCCTATCTTGCCTGAGGCATACTTGGATATTTCTGGGAGTTCTATAAACCCCTAGTGAGAGAACTTATCCT  
GAAGAAATGATACAGACTGGAATTTCAACAATTGATGTCATGAATTCATTGCTAGAGGGGCAAAAG

>trans\_c\_6169 HM066935|*Nicotiana tabacum* transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,  
complete sequence

GCGGGACAAAAAAATCACAGCCCCGCGAGGGTGAGCTAACTCCAAAAACCCGTCCTCAGTTCGGATCACGA  
GCTGCAACTCGCCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTCGTTCCC  
GGGCCTTGCACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTTACCTTAACCGCAAGGA  
GGGGGATGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAGTCGTAACAAGGTAGCCGTAAGTGTATTA  
GTTGACAAGAAGGGCCAGGGAGAGCTAATGCTTGTTGGGTATTTTGGTTTGACACTGCTTCACACCCAC

>trans\_c\_6170 AY103576|*Zea mays* PCO130039 mRNA sequence

AACGTTGTGTCGAGGTTGTCACCAGGGTAACAACGGGTGGGGAGAAATCCTCCACCTGGTATGCGGCTGGGA  
TGAAAAGCGGGGCGTTTCGGGTTTAGCTTTGAACTTCCTTCAACAGATGCTAGAGCCATTGTTTTGGAATGTGG  
TTATACAACTGATCTACGGACCTTTTGAACAACAAACAAATCAACTATCAACAAATATAGAACATGGAGCTA  
CAACAACTTCAACAAATGAGAAAAGTAGAGCAATCAATTTATTCTGTTTCATAAACTTGCTAAGATTGTACT  
AGCTTAGACCCAGTTTGATAATGATTGGTTCTCAAAATCATTCATAAAAGATTGATTACAGG

>trans\_c\_6171 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

CTAGCCTTTGAAGTCGCACTACCACTTGGATCTGGAACCTTCATGCTGATGCTCACGATTTGATAGCCATACT  
AGTGATTTGGAGGAGATCTCTCGAAAAGTATTTAGTGCCCAAAAGCGCCAACTCTCCATCATCTTTCTTTGGCT  
GAGTGGGATGTATTTCCACGGTGCTCGTTTTTCCAATTATGAAGCATGGCTAGGTGATCCTACTCACATTAGCC  
CTAGTGCCAGGTGTGGGTTAACCGCTGTTTAACCTCCCGCGGTCCGTTGTCGTGCTTATTTTTTGGGATCTTC  
CGCACCCGCCAAGAGGGGGCTTTTCTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAGGC

>trans\_c\_6172 AF175761|*Gossypium hirsutum* tRNA-Ala (trnA) gene, complete sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

TGAAATAGACATGTCTGTGAAGATGCGGACTACCTGCACCTGGACAGAAAGACCCTATGAAGCTTCACTGTTCCCTGGGATTGGCTTTTTCACAGCTTGATGCACTATCTCCCTTCAACCTTTGAGCGAAATGCGGCAAAAGGAAGGAAAATCCATGGACCGACCCCATCGTCTCCACCCCGTAGGAACACGAGATCACCCCAAGGACGCCTTCGGTATCCAGGGGTCGCGGACCGACACGCTCCAAAGTGGACATTTACCTTTATGTTAGCTGTCCGCTCTCCGGTTGGGCAGTAAGGGTCGGAGAAGGGCAATCACTCATTCTTAAACCAGCATTCTTAAGACCAGAGAG

>trans\_c\_6173 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete sequence

GCAGTAGATCCTTTAGATTCAACCTCAACTATGCTACAACCGAGAATCGTTGGTGAAGAACATTATGAAACTGCGAAAGAGTTAAACAAACCTTACAACGTTACAAAGAACTGCAGGACATTATAGCTATCCTTGGGTTGGACGAATTATCCGAAGAGGATCGCTTAACCGTAGCACGAGCATAGGTAATTGAGCGTTTCTTATCACAACCTTTTGTAA CGTAATTCCCACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGTTTGTGACGACGTATGCTTTGGAAGAAGCTTGTACAGTTTGGGAAGGGGGGGTTCGGTCGACAAAAAG

>trans\_c\_6174 D55647|*Cucurbita pepo* mRNA for catalase (cat3), complete cds

CCGAAAGAGAATCATAACTTCAAGCAAGCTGGAGATAGATACCGATCATGGGCACCAGACAGACAAGAACGATTCTGTGAGGCGGTTTGTGGAAGCGTTATCGGACCCCGTGTCACACACGAAGTTCGCAACATATGGATCTCATATTGGAGTCAGGCTGACAGGTCATTGGGCCAAATAATAGCATCTCGTATGAATGTGAGGCCAAGCATCTAAGAAAGACCCAACGATGTTTATGGCCAACATGTATGTTGTTAATTATATTTGTAAGAAGATCTAAGGGCATATATATCTACAAAAC TAGAACTAATATCTTATGGAGGAGGAAGAACATCCGCTCCATCTAGCGATTTA

>trans\_c\_6175 XM\_002864767|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* tubulin beta-2 (TUB2), mRNA

TCACATCCAAGGTGGACAATGTGGCAACCAGATCGGTGCCAAGTTCTGGGAAGTGGTTTGTGCTGAGCATGGAATCGATCCCATCGGTAAGTACACTGGTGATTCCGATCTTCACTTGACCGGATTAATGTATATTACAATGAAGCCAGTTGCGGTCGATTTGTTCTCGTGCTGTGCTTATGGATCTTGAGCCTGGTGTTATGGACAGTATCAGATCTGGACCTTACGGTCAGGTTTTAGACCTGATAACTTTGTTTTTGGTCAGTCTGGTGCTGGAAACAACTGGGCTAAAGGTCATTACACCGAAGGTGCCGAGCTTATTGATTCTGTTCTTGATGTTGTTTCGTAAGG

>trans\_c\_6176 AJ316582|*Atropa belladonna* complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

TGTCAGGACTATTCGGAGTAAGTTCCTTGGCTTGGACAGGACATTTAGTCCATGTCGCCATTCTGCATCTAGGGGAGAATCTGTTTCGATGGAATAATTTCTTAGATGTATTGCCACATCCCCAAGGATTAGGACCACTTTTTACAGGTCAGTGGAATCTTTATGCTCAAAACCCCGATTCAAATAATCATTTATTTGGTACTTCCGAAGGAGCAGGAACTGCCATTCTAACCTTCTCGGTGGATTCCATCCGCAAACGCAAAGTTTATGGCTGACTGATATGGCTCATCATCATTAGCTATTGCATTTATTTTCTTGTGCTGGTCATATGTATAGAACTAACTTCGG

>trans\_c\_6177 Novel Gene

AATTAGTTTATAATTTGAGCATTTCAAATTTCTGGGGGTGCACTGAACAGGACACAAATTCTCTTCAATGGAGTGTACCTGCAGTTCTCTGCGGTACCGGCTTTAACCACAGTGCCTTCTCTTTAGTTAGAACTGCGTTCTTAGAGAAGTCATTGTTGAATGCTCAGCCTTTGAAATTCTCGAATAAGAAGACGTACCCACTTGCTGGAACGCTCAAA TTTCTTACCCCAGAGCTCAAGCTTCTTCGAGCACAAGCAATTTTAGCTCAGAGGCAGCTCCCACAATTTCAAA GAAGGAAGATTCAAAAAACGAGGATCTTGTATTTGTTGTCAACATCGTGAAGGGAG

>trans\_c\_6178 AY173932|*Cucumis sativus* ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

CGCGGGAGCACATCTAGGATCCGACTTGTATCATTGATACTACTAGGAATTGAATCATTATGGCAAGGAAAAAG  
TTTAATTCAGAGGGAGAAGAAGAGGCCAAAAATTGGAACAAAAATATCATTTGATTCGTGATCCTTAAAAACAA  
GAAATAAGCAAAGTTCCATCGTTGAGTGAGAAATGGGAAATTCATGGAAAAGTTACAATCCCTACCGCGTAATA  
GTGCACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTAACCGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGGGCTC  
TCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCACGTACACATGTTGCACACGTGGTACA

>trans\_c\_6179 X15885|Gossypium hirsutum chloroplast psbA gene for QB protein

GTGAAGACGTCTCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGGGCGAACGACGGGAATTGAACCCGC  
GCATGGTGGATTACAATCCACTGCCTTGATCCACTTGGCTACATCCGCCCCCTACCCTATATATATATAATA  
TAATATATATGCAAAGTTATGTAAATTTTTTTCTTTAAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAA  
ATTGGTTATTGCTCCTTTACTTTCAAGAACTCGTATACTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAAC  
TCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGGGAAGTTGTGAGCATTACGTTTCATGCATAACTTCC

>trans\_c\_6180 BT005309|Arabidopsis thaliana At2g27770 mRNA, complete cds

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTCTCAAACCAAATTATGAAATTATGAATGAGGAAGGATTATT  
CTTACAAGCTCGAATCAACAAAGAAAAGCCAAGCTTCTTGCTTCATCTTCTCCTCCAGCCACAGCCGATTGT  
CCAATCCACTTCTCTCCTAAACATGAACGCCGCCCTGCTGTAGATTCCGGTCAGAATAGCCAATTGTAAATA  
TCCCACATCATATCAACCACCGACCCATCTAAAAAAATCGTTTGATTCCCTCGATAATTCGACGGTGTTCCGGCA  
TGGGTGACTTGCGAGAAGAAGGTATGGCGTCGTGAGGGTTGTGAGAAAGGAAG

>trans\_c\_6181 EU373071|Gossypium hirsutum gland development related protein 81-like mRNA,  
complete sequence

TGGAACAATACATTCTAAGACACGGTCATCACCTTTACTAACCATAGGGCTTGTTGTGGGTGCTATGCTTCTTG  
TTGGATTTTGCTACCGTCAAGCAGGTGGATCAAGAAACAATTTAGAGGCTGTGAGTAGAGTTGAAGGTGAAT  
ATATTTTACTTTTATGTATTCTTGAGTAAAAGCATAGTTTACCAGAACTCAAGCCTGAAATACAATTGATATT  
GAAGTGGAGGTATTATAATTTGTCATTATTTCTTCTCCTTCTTTACCTTCAGGCATTAACTAGTCAACATGAT  
CTGACCACTGCGTGTTTCAGACTATATTACTTAACATTTTCTATCTTTATCTGCAT

>trans\_c\_6182 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CTCTTATATTTCTACATCTAGGATCCGACTTGTATCATTGATACTACTAGGAATTGAATCATTATGGCAAGGAA  
AAGTTTAATTCAGAGGGAGAAGAAGAGGCCAAAAATTGGAACAAAAATTAGTAACTAAACAAGATCCTTAAA  
ACAAGAAATAAGCAAAGTTCCATCGTTGAGTGAGAAATGGGAAATTCATGGAAAAGTTACAATCCCTACCGCGT  
AATAGTGCACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTAACCGGAAGACCGAGAGCTAACTATCGAGACTTTGG  
GCTCTCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCACGTACACATGTTGCACACGTG

>trans\_c\_6183 DQ629224|Fossombronina pusilla large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

GCTATTACGCACTCTTTAAATGATGGCTGCTTCTAAGCCAACATCCTGGCTGTCTGTGCCTTCCACATCGTTTC  
CCACTTAACTATGATTTTGGGGCCTTAGCTGGCGGTCTGGATTGTTTTCTTCTTGACTACGGACGTTAGCACCC  
GCAGTCTGTCTCCCGGATAGTACTCATCGGTATTCGGAGTTTGCATCGGTTTGGTAAGTCGGGATGACCCCT  
AGCCGAAACAGTGCTCTACCCCGAAGATGAGTTCACGAGGCGCTACCTAAATAGCTTTTCGGGGAGAACCAG  
CTATCACCAGGTTTGATTGGCCTTTCACCCCGAGCCACAAGTCATCCGGGCATAAA

>trans\_c\_6184 GU902266|Gunnera sp. SM-2010 photosystem 1 subunit A (psbA) mRNA, partial cds; chloroplast

AGTAAATCGCGGGTCTCCTAGGACTTGGGTCTCTTTCTTGGGCGGGCCATCAAGTCCACGTATCTTTACCGATT  
AACCAATTTCTAAATGCTGGAGTAGATCCTAAAGAGATTCCACTTCCTCATGAATTTATCTTGAATCGGGATCT  
TTTGGCGCAACTTTATCCTAGGGGGTCTGAGGGAGCAACCCCATTTTCACTTTGAATTGGTCAAAATATGCG  
GAATTTCTTACTTTTCGCGGAGGGTTAGATCCAGTAACCGGGGGTCTATGGTTAACCGATATTGACACTACTTT  
TAACGTTATTTTACTTATTCCGTGAAACGGAATATTTATGTCGCCCCGAGGGGGT

>trans\_c\_6185 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

CGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTCGTATTTAAATATGCTGTCTATTTTTTTTTTC  
AAAAGTTAGACTTTGACGATAACACAGCTATCTATTTAGTAGACTAGAATCTAACATGTGGCTTACTCCAAACA  
TAAGCGATTATACATACGTAAACATGATATCTGAGGAAATCAATTAGAAGTATTTCAAAATAGAAAATAGATA  
AGAGATCGGGCGACCCCGTTTTGAGATATAAAATCAATATACCTATATGGATGTAGGTATCTATAGGGAATCA  
TATAAAGGTGATGTTATTATTTAGATCAAAAAGTGGTAGTAGCAAAATATAGTTTA

>trans\_c\_6186 NM\_001187052|Oryza sativa Japonica Group Os04g0474600 (Os04g0474600)  
mRNA, complete cds

GTGCGGCAATGTCACCCCAATTTGACCATTTTGATGTTTATTTAGACTTGTAAGTTTAAACCGCCTTAGCATG  
TGCGAGAATTTGGTGATGACCAACAATATATGGTTCAGTTCCAGGATCTCCACCGAGATAACGTAACGGCCCC  
AAAAAACAGCCTCTACGTGGTAAAGACCAATGTGGTTTGGTTTCTTAGTTCCAGTATCTCCATCAACACAATC  
AGCCTGTTGCGAAGATCCTCTGCCTGGTGCAAATAGTCCAGTTGCATATCCATATGCGGCAAAGATATATTGCT  
CGTTAAAGTGATCCAATGTTTCACTCTATCTCAAACCTCTTTTTTCCCTCTG

>trans\_c\_6187 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

GGTCTTTCGTGTTTGCACAGTGCTGTGTTTTTAATAAACAGTTGCAGCCAGCTGGTATCTTCGACTGATTTGAG  
CTCCACCCGAGGGGCTTACCTACATATCAGCGTGCCTTCTCCCGAAGTTACGGCACCATTTTGCTAGTTCC  
TTCACCCGAGTTCTCTCAAGCGCCTTGGTATTCTCTACCTGACCACCTGTGTGCGTTTGGGGTACGATTCAATG  
TTACCTGATGCTTAGAGGCTTTTCTGGAAGCAGGGCATTGTTACTTCAGCACCGTAGTGCCTCGTCATCACA  
CCTCAGCGTTAAAGGTACCGGATTTACCTGGGGTTTCCGCCTACATGCTTAA

>trans\_c\_6188 DQ148271|Beta procumbens nematode resistance protein (Hs1pro-1) mRNA, partial cds

CTGCACCATACTGGCAACGCAGATTGCCGGTTCGCGTACGGACGTGGATCAGACAAAACGGTCGATATGAAC  
CGGAAAGTAATCTCCAAAGCCTGTAAACCCGGCTTCAACACCGACTCATTCTCCATTACGGGAACCTTAGA  
ACTCCATAACTTCTGAGATCGTTGAGACGAAGGTACTGTTGATGAGGAACAAGAGGAAGGTGAAGCAGT  
GGAGAGCTCTGAAGAGCGGAAGGAAACGGGAAGAGATAGATTAAGCTTGTGTTGGCGATGGGGATGATCT  
TAGGGGATTTAGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTCTTGTCGGAGGAAACCATGTTTGCCT

>trans\_c\_6189 AJ421780|Persea americana chloroplast mRNA for RNA-binding protein precursor (rbp33 gene)

TTTACCTTCTCTATTCTCCGACAGACCCCACTACTTTCTCTCTTTCCCTTCAAAATTCATCCCCTTCCATCTTT  
CCTCGTCGTCTTCCATTCTTCATGCTTTTACCCTTCAAAGAAGAAACCCCATCTTCCCTCTGTGGCTCAAACCTC  
CGACTGGGCTCAAGAAGATGACACTATGACCATTGACCCAAACCTCGACAACGACGAAGATGCGGAAGAAGA

AGGCGGCCCCCATTGGGAAAATGAAGAGCTCAGTGAAACTGAGTCTCGTATTTCTGATTGGGAAGGTGAAGG  
CGAAGGCGAAGATGGAGGAAGTGAGGCTGAAGTAGGAGGAGATGAAGAAGAA

>trans\_c\_6190 AP009374|*Lepidium virginicum* chloroplast DNA, complete sequence

GATCAATCTCTGGTTGCAGAACCTCGATTGCAACAGATCCGCTCAAGGACCTACTGGTTTAGGTAAATATCTAA  
TGC GTTCTCCGACTGGAGAAGTCATTTTTGGGGGAGAGACTATGCGTTTTTGGGATCTGCGTGCTCCTTGGTT  
AGAACCACTAAGGGGTCCTAATGGTTTGGACTTGAGTAGACTGAAAAAAGACATCCAACCTTGGCAAGAACG  
ACGTTCCGCGGAATATATGACCCATGCTCCTTTAGGTTCTTTAAATCCGTTTTTTTATTAGCTACCGAACGGCC  
GTACTGACCGGCGTGAGAGAAGCTCCTGGTTGGCTAGCAAGAGACGGGGTGGAGC

>trans\_c\_6191 FJ463618|*Pisum sativum* MLO1 (MLO1) mRNA, complete cds

AGAACAAAGATGAGCAAATGGAAGGCCTGGGAGGATGAAACCAAGACAATTGAATACCAGTACTATAATGA  
TCCAGCAAGATTTAGATTTGCCAGAGATACTACGTTTGGACGCCGACACTTGAGCTTCTGGAGTCGTACACCA  
ATTTCCCTCTGAAAGGTTTGTTCCTCAGACAATTCTTTGGATCAGTTACCAAGGTTGATTACATGACACTGAGA  
CATGGATTCATTGTTGCACATCTAGCACCCGGAAGTGAAGTAAATTTGATTTCCACAAATACATTAGCAGATC  
TCTGGAAGACGACTTTAAAGTTGTTGTGGGGATTAGTCCCGCAATGTGGCTATTT

>trans\_c\_6192 FJ097509|*Pinus taeda* isolate 2110 anonymous locus 2\_5255\_01 genomic sequence

TGAACTTTGTGAACCGTGAGGATGCTCAAAGAGCTATCAACAACTGAATGGATATGGTTATGATAATCTCAT  
CCTTAGAGTTGAGTGGGCTACTCCAAGGGCTACTTAAATGCCTTCTTTTATACTCTTTATCTTTCAAACCTCAG  
TGTGATTTGTTTACTATTATAGCAAGACCCACCCCAACATTTTGGTTACTTAATTATGTGTTCTTGAGGTTCC  
TTGTGTTGAAAAAGAAAAATGGTAAGTTGAGGACTTCTTGTA CTGTATGTTTGAGTTTACTTTCGTTGGTTAAA  
ATCAGAAGGAATGGTTTTTCCAAAAA AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6193 XM\_002308629|*Populus trichocarpa* ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

CACTTGCTGTCATCGGACATTACGGAAGAGCAATCACAGACCTTACGCTTACTGGCCTGACAAATGTTTCTGA  
GAGGGGATTTTGGGCCATGGGTAATGGTCATGGTTTGCAGAAGTTGAGATCATTTACACTTAGTTTCTGCCAT  
GGTGTGACTGACGTTGGGCTACAATCGATTGGGAAGGGATGCCCAAACATGAAGAAGTTCTGCTTGCGCAAA  
TGTTTATTTTGTCCGACAATGGAATGGTCTCTTTTGTTCAGGCTGCTACCTCCATCGAGAACTTACAACTAGAA  
GAGTGCCACAGGATAACCCAATTGGGTTTATTTGGAACCATCTTAACTGTGGTG

>trans\_c\_6194 AY690320|*X Citrofortunella mitis* tRNA-Ala (trnA) gene, partial sequence;  
chloroplast

AGAAACTCCTTCTTTATCTCTCTGGTCTTAAGAATGCTGGTTTTAAGAATGAGTGATTGCCCTTCTCCGACCCTT  
ACTGCCCAACCGGAGAGTAAGTGATCGGCATAAAGGTGAAATGTCCACTTTGGAGCGTGTGCGTCCGCGACC  
CCTGGATACCGAAGGCGTCCTTGGGGTGATCTCGTAGTTCCTACGGGTGGAGACGATGGGGTCCGGTCCATG  
GATTTTCTTCTTTTGCCGCATTCGCTCAAAGGGTTGAAGGGAGATAGTCATCAAGCTGTTTCGAAGGGC  
CAACTTGAAGGTGACAGGATCCTGCGAAACTCCCTCACCCAGGTGCAGGTAGTCC

>trans\_c\_6195 NM\_123364|*Arabidopsis thaliana* AATP1 (AAA-ATPase 1); ATP binding / ATPase/  
nucleoside-triphosphatase/ nucleotide binding (AATP1) mRNA, complete cds

CATACAGATCTCAATCCCATGAATTTGCTGGTGAACGTCTCAAACGTAGTGAAGCTTTCATCGCAATGAAATCG  
TATCTCAGCAAGAATTCATCCAACACAGCCAAAAGACTCAAAGCAATGGTTCTGGTGGAAGATGGAGTTACAG

CCATACTATGTGGAGTCACATAGTGTGGAGCACCTGCAACATTTGACACCCCTAGCAATGGAAGCAGAGAA  
AAAGCAAGAGATTATGGATGATTTGCAGACCTTTACAAGCAGTAAGGATTTTTATGCTCGAATTGGGAAGGCT  
TGGAAACGTGGGTATCTTCTATATGGTCCACCAGGAACAGGGAAATCAACAAAG

>trans\_c\_6196 AF009004|Pelargonium x hortorum glycine-rich RNA binding protein 2 (GRP2)  
precursor mRNA, complete cds

GCGACCCCAGGTCAGGCGGGACTATACTCTTCTTCTAGGGTTCCTCTTTTCCTTCTCATTTCCATGGCTTCCTC  
CTCTGTTGAGTACCGTTGCTTTGTGGGTGGCCTTGCTTGGGCCACTGATAGTAATGCCTTAGAGAAGGCTTTCT  
CTCCATTTGGTGATATCGTTGAAGCCAAGGTCCGTTTGACGTCGAGATCTGGATTTGTTCCGAATCGGCTTTCT  
ACATCCTTAATCTGATCTCTCAATCTGTGACTGTTTTGTGTTACTTTACTACTACTACTCTTGTATCTG  
TTACTTTTATTACTCTCCTTTAATCGATCGTTAGCGATCGTGAGGGG

>trans\_c\_6197 EU855789|Lotus japonicus intrinsically disordered protein 1 mRNA, complete cds

GCTGTGGAGGATTTTCTCGAGAAACAAATAACGTTTCAAGAATCTTTTCTCCGCTAGCAGCGTTTTCATATCCA  
ATGGCTCGCTCTTTCTCCAACGTTAAGATCCTCTCCGCTGTTGTTTCCGATGGATTCTCTCCCTTCTCACCAGTC  
GTGTGGCGTATTATTATTATTGTCTCAAGGAGTTGCGTCGAGTGCGGTGAAAGGAGCAGGTGTTGCGGCGG  
CGAGGAGCAGTAATCTGTTGAAGAAATCGGGAGAAGAGAAGGTTGTTGGATCAACTGAGAAGGTTTCTTGG  
GTGCCGGATCCTGTCACGGGGTATTACCGACATTCTGGCTAATATACGTCACG

>trans\_c\_6198 AF479240|Lythrum salicaria 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GTCAGGCTCTTATGGACTGAGCGGCTTTGTGAGCAACGATCCTATTTTGCTGGCTCCTCAGCCAAGCACATACA  
CCAAATGTCTGAACCTGCGGTTGAGAGCATGACTCGTCCTAATTACTATTGCGACACTGTCATCAGTAGGGT  
AAAATAACCTGTCTCACGACGGTCTAAACCCAGCTCACGTTCCCTATTGGTGGGTGAACAATCCAACACTTGG  
TGAATTCTGCTTCAGTTACTATCCTTCTCTTAGTGCTAGGAAGCTGGGGGATGGTACTATCGCGAACGCTTGGC  
TGCCACAAGCCAGTTATCCCTGTGGTAACCTTTCTGACACCTCTAGCTTCA

>trans\_c\_6199 XM\_001691254|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CCAGTTGACACAAAATAGACTACGAAAGTGGCTTTAACATATCTGAACACACAATAGCTAAGACCCAAACTGG  
GATTAGATACCCCACTATGCTTAGCCCTAAACCTCAACAGTTAAATCAACAAAAGTCTCGCCAGAACACTACG  
AGCCACAGCTTAAACTCAAAGGACCTGGCGGTGCTTCATATCCCTCTAGAGGAGCCTGTTCTGTAATCGATA  
AACCCCGATCAACCTCACCACCTCTTGCTCAGCCTATATACCGCCATCTTCAGCAAACCTGATGAAGGCTACA  
AAGTAAGCGCAAGTACCCACGTAAAGACACATATCTCAGACACGAGATGTGA

>trans\_c\_6200 Novel Gene

TGAAACTCAAAGGAATTGACGGGGGCCCCGACAAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAAATATAAA  
AACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGGAACGCGGACACAGGTGGTG  
CATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCGTAAGGTGTTGTTGGTTCAGGGCACCATCTATCCCAAAGATTTTTGTGTTG  
CTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGCAACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCG  
ACTAATTGAGTGCCACGTGCATCTCACCTCACTTCCAGCACACCCAAATCAATTG

>trans\_c\_6201 NM\_117513|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT4G14360) mRNA, complete cds



CCTTCACGGTGATACATATTAGATGAGAGAAGATAGCCTCCAAAACCTTGCAACACCACAACCAACATCAAGAA  
CAGTACGCAGTCTTCCTTCATTGTTTAGATTATCATTAGAAAAGTTGAGCATGTTTGCAATTGAAGCAATGTAC  
TTATCAGCTCCATAGTGAAAATGAGTACCTCCTCCAGGGAACACAATTTTTTACCTTTGACAACCATCCAGTTC  
TGATCAGATTTCTCATGAGCAAGATGAGTATGGGGAATGTTTGCTTTCCACACTTCATCTCTGCTCTTAGGCCA  
CTTAATTGGGACCTTCAGGTGATGCTCAGTGTTACCAAATTGCTACCTT

>trans\_c\_6202 HQ437936|Ternstroemia fragrans voucher LP160 ATP synthase beta subunit (atpB)  
gene, partial cds; chloroplast

AAGAACACGCTCACGCCCAAAAAAGATAGGTGAACGTACTCGTGAAGGAAATGATCTTTACATGGAAATGAA  
AGAATCCGGAGTAATTAATGAAGAAAATATTGCAGAATCAAAAGTGGCTCTAGTCTACGGTCAGATGAATGA  
ACCGCCGGGAGCTCGTATGAGAGTTGGTTTAACTGCCCTAACTATGGCGGAATATTTCCGAGATGTTAATGAA  
CAAGACGTGCTTCTATTTATCGACAATATCTTTCGTTTCGTTCAAGCGGGATCCGAAGTATCCGTACATGAGAG  
AATAACATTCTCTCTAATCTCTATATCGATGAAGGTACGATAGGGCATAGATA

>trans\_c\_6203 NM\_103496|Arabidopsis thaliana emb1075 (embryo defective 1075); carboxy-  
lyase/ catalytic/ pyridoxal phosphate binding (emb1075) mRNA, complete cds

GGAGAGAAGTTTTGTGCGATGGGATTCTGTATGCTTCTCGGGAATCTCATTATTCGGTGTCAAAGCTGCTAG  
AATGTATAGAATGGACTGTGTGAAGTTGGTACTCTGATATCTGGTGAGATTGATTGTGCGGACCTTAGAGTT  
AAGTTGCTTGCTAACAAAGACAAACCAGCTATACTCAATGTTAATATTGGAACCACGGTGAAGGGAGCTGTTG  
ATGATCTTGATCTTGTGATACAAACACTTAACGAATGTGGGTTTTCAAAGATCGGTTCTATATTCATTGTGAT  
GGAGCATTGTTTGGACTTATGATGCCTTTTGTCAAACGTGCACCAAAGGTC

>trans\_c\_6204 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

ACTAACTCCAAAAACCCCGTCCTCAGTTCGGATCACGAGCTGCAACTCGCCTGCATGAGATTAGAATCGCTAG  
CGGCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTCGTTCCCGGGCCTTGACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGC  
TGGCCATGCCCCAAGTCGTTACCTTAACCGCACTTCTTTTTCTGCCGAAGGCAGGGCTAGTGAAGTGGAGTAA  
GTCGTACACCTTGCTAATGACTGGAAGGTGCGGCTGGATCACCTCCTTTTCAGGGAGAGCTAATGCTTGTTGG  
GTATTTTGGTTTGACACTGCTTCACACCCACAAAGTTTTAGCGCTCTAATC

>trans\_c\_6205 EF590944|Lagenaria sphaerica voucher NMNH 06-8346 NADH dehydrogenase  
subunit J (ndhJ) gene, partial cds; chloroplast

GAATGGCATTCCATTGCAGTCATTTTATATGTATATGGTTACAATTATCTACGTTCCCAATGTGCTTATGATGTA  
GCACCAGGCGGACTGTTAGCTAGTGTGTATCATCTTACGAGAATCGAGTATGGTATAGATCAACCGGAAGAG  
GTATGCATAAAAAGTATTTGCCGCAAGGATAAATCCTAAAATTCCGTCTGTTTTCTGGGTTTGGAAAAGTGCGG  
ATTTTCCAGAAAGGGAATCTTATGATATGTTGGGAATTTCTTATGATAATCATCCACGTCTAAAGCGTATCTTA  
ATGCCTGAAAGTTGGGTAGGATGGCCGAATGAAGCGATATATATTGCC

>trans\_c\_6206 X80470|T.durum mitochondria atpA and atp9 mRNA

CCACCAGGCCGTGAGGCTTTCCCGGCGATGTTTTCTATTTACATTCCCGTCTCTTAGAAAGAGCTGCTAAACG  
ATCGGACCAGACAGGTGCAGGTAGCTTGACCGCTTACCCGTCATTGAAACACAAGCTGGAGACGTATCGGC  
CTATATTCCCACCAATGTGATCTCTATTACTGATGGACAAATCTGTTTGGAACTGAGCTCTTTTATCGCGGATA  
ATCTGGACGATAATTGACGCCGAATAGGCAGTCAGCACAGCCAGACCCGCTCAGTTGAAAGCTATGAAACA  
AGTCTGCGGTAGTTTAAACTTGGGCCAATGTGGCGCTATAGGTGATAT

>trans\_c\_6207 AJ236704|Humulus lupulus H17SL-2 gene and 7SL RNA pseudogene

AGTAGAGTTTAACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGTCTCCGGATGGGTAGCCCATAAT  
AACCCCGGGGGGGCCCAATATTTACCGCTCTTCCACCGACAGAAGCGGGGGGTAACGCTGCTCTGTGAGACC  
AGCCTCACGCGGTGTCCCCCACTTTAAGGGCAACTGACTCTCGGCCTTCGCCCCAAGCCAATGGCCCACTTCC  
TACTTGGAATGGGCGGGCTAGTAAGTCTTCCCAAAGAGACCCTACCGAATGGGTTGAGCCCGCTTCCAGCCAC  
ATTAATGCCTCCATTTGGATTACAAGCTCACATTACCGAGCTCGGCGCT

>trans\_c\_6208 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

TTCCGACCCTCCCTCGCGGGTTAAACGGCTCATATGTTGTGACTTGAATAAACGTTTCTCTGTGGAGAAAGAT  
CCCGCTACCGGGGGCGTCGCGAGGTACTCGTGGGTGTACTACTCGTTTCGCAAAGTGATATGCGATAAGTCGT  
CTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTACAAGGCGGCCCCCGCGACTCATCCGTCACGAG  
GGCTTAGCCAACGACACGTGCCTTTGGGGGCATCCCTTAACTACTGCTGGTCGGCAATCGAGCGATAAGCAC  
ATGCGTCGCTTCTAGCCCGGATTCTGACTTAGAGGCGTTCAGTCATAA

>trans\_c\_6209 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TAATTCAAATAATTGAATTGCGGGACCTTTAAATTTATTTTTTATGATATTTTAACTTTTCGAGCATATATTAAC  
TCATATATCTTTTCGGTCATTTTCATAACAGTAATGTTAAGTCAATTATTGGAATAATTAGTTACTTTGGCATCCT  
GAGATACAAAGCAGTCTAAAGGGCATGATAGTTACTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGAT  
TTATTTGAGGCATTTACCATTAAGTGATTTATATGAATCATTACTATTTCTTTCATGGGCTTTATCCATTATTCAT  
CTATTTGCTTATTTAAAAAATATACGATCGTCCTCC

>trans\_c\_6210 DQ629451|Hedyosmum arborescens small subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

ACCGCTCCACCGGAAATTCCTCTGCCCCTACCGTACTCCAGCTTGGTAGTTTCCACCGCCTGTCCAGGGTTGA  
GCCCTGGGTAAACACGGCAAGTCGCCCCAAGCCACCTACAGACGCTTTACGCCCAATCATTCCGGATAACGCTT  
GCATCCTCTGTATGCAATATTAGTACAATGTGAGACCGATTAGCATCCGCCTTTTGAGCGTTACTGCCATCCTC  
CTCTTAAAGGGGAGGATTCACGACCCGTAGGCCTTCTACCTCCACGCGGCATTGCTCCGTCAGGCTTTTCGCCCA  
TTGCGGAAAATCCCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGGCCG

>trans\_c\_6211 NM\_114701|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT3G48420) mRNA, complete cds

GAAGATTTTCTAAATGCAGATGCAGTTTTTACTGTCATTGGAGACCCCCAGAAGAGCGTTTTGATTGGCATT  
CTGTGGAAGCCTTCTTGAGAAGCAGTATGTCAGCTAAAGCATGCAAGCACCAATGTTTCATGTACTGAAGCCC  
GAGCGAACGTTGCACTTCTTAACTTTTGTGAATTCAAAATATAGAGATGTCAGGTCATGCTTCTTGACTTAGAT  
CTTTGTATTTAAATGTTATATATGTACGCCAATTTGTTGATATATCAAATGTTTTGCTCTTGTAACCAGGACAA  
GAGCGATTTTCATTATATTTGAATTCTCGTACTTGACATGTGACG

>trans\_c\_6212 XM\_002309102|Populus trichocarpa Ca<sup>2+</sup> antiporter/cation exchanger, mRNA

ATGTCATCCTCTTCCTTACGCAAAAAGTCCGATTTAACCTCGTCTCCAAAATCCAATTCGGCTGTCTCCGTAAG  
TTTTGTATTAATCTTCAGGAGGTCATTTTGGGAACTAACTTTCCATTCTCTCCCCGCGATTCCGTTGCTATTG  
TCGCTCACAGTTTTGGCTTTGGAAGACCTTGATTTTGCATTGAGTTTGCTTGGCCTTACGCCATTGGCTGAA  
CGTGTGAGCTTCTTGACCGAGCAAATCGCTTATTTACCGGTCCAACAGTTGGGGGGCTTTTGAATGCAACAT  
GTGGAAATGCAACGGAGCTGATAATTGCAATATTAGCACTGA

>trans\_c\_6213 GU397102|*Begonia morsei* tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

AGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTCTAAAGGATTCTAACCATCTTTTTATCCTAAAATAGGGGTTAATTAGATG  
ACAAAAGAAAAGAGAGGATAGAGAGTCCGTTGATAAGTCTTACCTATTTACGAGGTATCTATTATTAAGAAA  
TAAATGACATTATGGAACAAACACTGTATCGCACTATGTATCATTTGATAACCCAATAAATCCCATTATCGT  
ATCCCCAGTTCAAATCAAATTTTAAATGGAGGAATTTAAAGGATATTTAGAAGTTGAGAAATCTCGGCAACGT  
GACTTCCTATACCCACTTATCTTTCGGGAGTATATTTACGCATTTT

>trans\_c\_6214 M88258|*Arabidopsis thaliana*

AAGTTCGAAGAAGATCTTAATCTATAATGAAGAAATGATAGTAGCGAGTCTTTTATAGGCTTCTTATATTAA  
GTCGGAAGAATTTAGGTAAGACTTTCAAAGCGACTTTGACGGGAGAATCCAGGCTATTCAGGAAGAATTGC  
AGCAATTTCTCAATCCTAACGAAGTAGTTCTGGAGGAATCCAATGAACAACAACGATTACTTAGGATCAGTTT  
GCGAATTTGTGGCACTGTAGTCGAATCATTACCAATGGCGCGCTATGCGCCTAAGTGCGAAAAGACAGTGCA  
AGCTTTGTTATGCCGAAACCTACACACAAAGTTGATGGTGTGGAGCCC

>trans\_c\_6215 Z46740|*L.esculentum* gene for 7S signal recognition particle RNA (713 bp)

AAAAGTGGTTGTTGGGCTGAGAACTACCCACAGAGTATTTTCATTTAACACAAGAAACGACCTGTTATCCTTCC  
ACCGACAAGAGCGGGAGGTGACGCTGCTCTGTGAAACCAGCCTCACGCGTTTCCTCCATCTCTAGTGGCGAT  
GAACTCCAAGCCTTCGCTCGAAGCCCAAGGCCCAACTCTCTACTTGGAATGGGCAGGCCGTAAACTATCCCGA  
TAGAACCTACTCTGCAAGCTGGGCCAACCTCCAACCATTAATGCCCCGTTTGAGTTACAAGCTCACACTA  
CCGAGCTCGGCACGGGTTCGGGACTGGGACCCCCGTGCCAGCC

>trans\_c\_6216 GQ303465|*Arabidopsis kamchatica* subsp. *kawasakiana* isolate kamkwsB4L chalcone synthase (CHS) gene, partial cds

AGGGAGAGGAAGAAGAAGAGGAGGGACTGAAGTAGTAATGATGGTGGAGTGATATTATCGATTGTGAAGT  
GAAGTGTATGTTGAGTGAAGAATCTTATGGTTTGTGTATAACTTCTGTTTCTGTGCCATTTTGTCTTTCTTAC  
ACTTATTGTTAACCCCAATGTTTAGATGATACTTGTAGATTGCAATGGATGGGCTTATAATAATGGCCTCGTGA  
TATGTATTTCTGATTGGACTATGGGAATATTTTGGTGTCTAGGATTTTAACCTTTGATATTTTCGCATGAAAGT  
AACAATTGGCTTTGGGTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6217 AY594289|*Nerium oleander* GA 20-oxidase 1 mRNA, complete cds

AATTGAAGAAGAAGAAGAGGAGGAAGAAGAACAAGAAGGAGGAAGGAAATTTCTCGGGAGGCATCTT  
GAAATAAAGGGCGATGAAGAAGAGAGCAAATTGAGTCCAGCCTCCATAGTAAAATCTCACTGTTCTTTTGAA  
GTAATACAAAGGCTAAGAGTCTCTCCTCACATGAAAGTCTCTTGGGGGACTGTTCACTGAGAAATCTACTGGC  
GTTCAATGACTTCAAACATCTGGGTCCTCATCTTATGCAGATTTCTTCAAAGGGATTGGGGAGAAATGGGA  
TTCGATGAGATTTTGGATAAAGAAGAAGGAAATGTTGTTAAGTAGTT

>trans\_c\_6218 AJ538781|*Nicotiana tabacum* cDNA-AFLP-fragment BT1-M22-007

TTGTTTGGGGCTGAAGACCAAAGGAAAGTCTAAAGTATGTAGGTTTCTGCTTTTACCCACTATTTTTTGGTA  
GTTTCGATCGTGGAATTTATTTTTTCTGTATTTCCGGAATATGAGTAAAGTGTATGATTGGTTCGAAGAACGTC  
TTGAAATTCAGGCGATTGCAGATGATATACTAGTAAATACGTTCTCCTCATGTCAACATATTTTATTGTCTAG  
GAGGAATTACGCTTACTTGTTTTTTAGTACAAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCGACC  
GTTACTGAGCGCTGCATCAGTACAGTAAAATAGAGCCATT

>trans\_c\_6219 DQ001754|Citrus reticulata voucher P.M. McNutt 019 (FLDCI) 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GGACTACCTGCACCTGGACAGAAAGACCCTATGAAGCTTCACTGTTCTCAAGTTGGCCCTTGCGAACAGCTTG  
ATGCACTATCTCCCTTCAACCCTTTGAGCGAAATGCGGCAAAAGGAAGGAAAATCCATGGACCGACCCCATCG  
TCTCCACCCCGTAGGAACCTACGAGATCACCCCAAGGACGCCTTCGGTATCCAGGGGTGCGGGACCGACACGCT  
CCAAAGTGGACATTTACCTTGCCTAATCGACAGGCCTCTCCGTTGGGCAGTAAGGGTCGGAGAAGGGCAA  
TCACTCATTCTTAAACCAGCATTCTTAAGACCAGAGAGATAAAGA

>trans\_c\_6220 GQ997639|Nerium oleander voucher FLAS:W.S. Judd 8076 clp protease proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

GAAGGGGAGAAAAACAAGCCGCGGGTGCGTGAAATACCTGCTATTTGTTATTCAACCGCTACAAGATCAACA  
ATTCCATAAGCTTGGGCTTCTGTTGCTGACATAAAAACATCCCTTTCATGTCTTCGGATATAACCCATAAGGG  
TTTGCTGTTCTTTGTACATAAACCTTGTGAGGATTTGCGCGAGCCTCAGTAGTTCTTTCGCTTCAGGATAAA  
TTCTCCCGTTTGTGCCTCATAAAAAGAACTAGCAGGTTGATGGATCATTACCCTGATGATTTAATAAATGGTTT  
TCTCTATCTTACATCATTATCATGATGAGTCAAAGATAATA

>trans\_c\_6221 GQ997298|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 acetyl-CoA carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

TCCTCAGGGACTAAGTAAGGCTTTACTTGATTGAATTTTGATTGAGGGAACGAAAGCGTGGAGCTGAAATAA  
CTCACTCACAACACCAAAATAAAGATTACGTGGTACGATTAGATCGAATAAGCCCTTATCGAATAAAGATTCA  
GCCTCCTGTGAACCTCAGGGACTGCCTTATTCAATGTTTGTTCAATTACTCTTTTACCCGCAAATGCGATGTAG  
GCATTCGGTTCGGCAATAATGATATCCCCAACATACCAAACTAGCTGTCACCCACCAGTAGTAGGAGATG  
TAAGGATTGCTACATAGAATAGCCGCTTTAGGGGCCGGGCT

>trans\_c\_6222 NM\_001060972|Oryza sativa Japonica Group Os05g0110000 (Os05g0110000)  
mRNA, complete cds

ACCGGCTGTGTACACCGAAATGGACGGTGGGTTTAATGCGAACGGAGTTCCAAGAAGGGTTTCGTGGGCTTC  
GAGAAGAAGCAGGGGAAGAGAGAGCCGTGGAATTGGACGAACATTTCTGAATATATTTTCTTCTTTGGAAG  
ATTTAGGTCGTCGAGTTCATCTTCTTCTCGCCTTCAAATGAATCTGAGTCTGTCAGTAGAAGCCATAGCCATTC  
GAGTTCTTCAGTTTTCAGCAGATACTTACGAAGGCAAAACAGAGCTTGGGTGTTGGAGAACCAGAATGAAAA  
TGGTCGATGGTGATTCTTTTCTTCAATTCAACCCGGTACCGGCA

>trans\_c\_6223 AY173935|Cucumis sativus ribosomal protein L20 (rpL20) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

AAAGAAATAGTGGTCGGGAAGGTTATAGTAGCAAAAGCCATTGGAATTTTATTTTATACATTGGAAAAATAC  
GTTTTGTTATTAAGACTAGGAAAGGAGAAAGGAATAACTGAAAGAAAGGAAATCCATTAGTTATTCATCAA  
AGTTTCATTTATTCAATGACTAGAATTAACGAGGATATATAGCTCGGAGACGTAGAACAAAAATTCGTTTATT  
TGCATCAAGCTTTCGAGGGGCTCATTCAAGACTTACTCGAACTATTACTCAACAGAAAAAAGAGCTTTGGCTT  
CAGCTTATCGGGATAGAGGTAGGCACTTTTCTTTAGCCTAG

>trans\_c\_6224 NM\_001068395|Oryza sativa Japonica Group Os08g0431100 (Os08g0431100)  
mRNA, partial cds

AATGACAGAGAGATTTTCTTTTCTCTTTGTCTTCAAGATCTCAGTATTGAATGCATAGATGGCTTGGCGACTGT  
TCTCAGTCCCCATCATTTTCAGAAGTTTCAGAACGAGGCAAAACATACTAGATTAGAGCCGTATGTATGTGAG  
AAGCAATTTGATAATGATGATATCAAAACGTTTCGATATTACACAGGTCAAAGGCTACTGGAAGCAAGAAATAC  
TCAGATACATGTATGCTCTTTCTTCAAAAGCGCATGCCACTCTCAGCAGTCAGAAGATGACACAAGTGCTGA  
AATGAGACCTAGAAAGAGACATCGACGCTCATCTTTACTAC

>trans\_c\_6225 GQ163452|*Momordica suringarii* voucher A:J. F. Maxwell 86-1033 maturase K  
(matK) gene, partial cds; chloroplast

CCACTTCATGATACAGATAAGTTTATACAATACTCGTGAAAAAGAACCGTAATAAATGAAAAGAAGAGGCAT  
CTTTCACCCAGGAGCGAAGGATTTGAACTAAAATTTCCAGATGGAGGGGATAGGGTATTAATACATCTGACAC  
ATAATTTAAATGTGGGAATTTATCCTCTAAAAAAGGAAATATTGAATGACTTGATCGTAAATTATAAGATTTTG  
CGATTTCTTCTTCTTTAAGGAAGATACTAATCGTAGGGAAAATGGAATTTCCACAATGACTGCAAAACCTTCT  
TCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACA

>trans\_c\_6226 AF030515|*Canavalia lineata* chaperonin 60 alpha subunit mRNA, nuclear gene  
encoding chloroplast protein, complete cds

CTCCCACTTCCGACTTACGACCTCTGTTGCCTGAACATGGCGTCTGCCAATGCTCTTCTTCCGCTTCTATTCTAT  
GTTCTTCTCACAAGAGCTTGAGAAAGGTGAATCAAACGCAGAACACAGAGTAAATTACAGACAGGCTGGTA  
GTAGATTTGTTGTGAGAGCCACTGCAAAGGAGATAGCATTCGACCAGAGTTCTAGAACTGCACTTCAGTCTGG  
GATTGATAAGCTTGCTAATGCAGTTGGTTTGACTCTTGGACCTAGGGGGAGGAATGTGGTGTGGATGAGTTT  
GGTAGCCCCAAAGTGGTAAATGATGGTGTGACAATTGCT

>trans\_c\_6227 AP009374|*Lepidium virginicum* chloroplast DNA, complete sequence

TCCATGTGAACGGCACTTGCATACTTGAATCGTATTAGGTCTAATTCCTATTACTTTGGCTGGATTATTTGTGA  
CCGCATATTTACAATACAGACGGGGGGATCAGTTGGACCTTTGATTAATTAACAGTTCTTTTTTTTGATTGACC  
CCCTACTTGCTTTATAGGAGGTAAAATTTTGATTTCTGTTGAATTATTTTCACTATCATTTTGCGGGGCCCAACAAC  
AAGAATCGAATCACGCTCTATAGGATTTGAACCTACGACGCTAAACCCCAAGAGTTTATACCTCGTTAGGTCA  
GGTCGGAGATACATACCGATGCCCCGACGGGACCATC

>trans\_c\_6228 AY274821|*Cucumis sativus* ATPase subunit III mRNA, complete cds

TATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGGGTTGTCTCGCGATCCCTTCTACAGC  
TTGGCCCGCAGCAGTACCTTGACCAATCCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCGACGGCCAACCCAGCAGCAAT  
AACGGAAGCGGCAGAAATCAGTGGATTATGATAAGTTCCTCACACCAAAAGAAAGAAATGGTTAATGATAC  
AATCAACCAATGAATTATACTTATTATTCCATCACTAAGATTTTCGCTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGA  
GATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTAAGACTTCCCTC

>trans\_c\_6229 NM\_105153|*Arabidopsis thaliana* binding (AT1G64790) mRNA, complete cds

AAATCCTTAAAAAGAGTATAGACACGAGTTCTCACTCCACTACTTACAGTCTTCCCAGCATGCTTCATGACACC  
TTTTAAGGCAGTCAAGATTGCCTCGCGAATACCACCATCAGATGCCTGTAAACTGGAAAGCAGGTCACCAACC  
AATGGATCAATCCTAGTGCTAAGAGCACTTAGCTTTCCAAGAGCAAGTGCAGCACTTGATCGGACAGTCCCTTG  
TATTATCTTGCAGACACTTAATAAACGTGGTTTGTAGTTGAGGAAGAAAAGGTTTTAAAGCCATTCCACCCTTT  
CTAATTATAATGCTCAAAGTAGATAGAATGGCACTCTTC

>trans\_c\_6230 BT001125|*Arabidopsis thaliana* At5g08400/F8L15\_130 mRNA, complete cds

TGCATTGCTTTCTGAAAATGGCGATGATTCTAAGTTTGACGCTATAAGTACTTCTACACCGACTACAACCTGATC  
CTAAGAAGAGCTCTGGAACCTCTGCTAGAAGTCGTCGATTGCTTAAGCTTCGTGAAGAGAAACGCAAACGAG  
AACATGATCGTCTCCACAATTATCCTGCTTGGGCGAAGGTGTTGGAAGACGCCTGCAAAAACGATGCGGAATT  
ACGTGCTGTTCTTGGCGATAGCATTGGCAATCCAGAGGAGATGAGGAAAAAGGTTGAAGATAGAGTACGGA  
GGAAGGGTAGAGATTTCCAAAAGTCTAAAACGGGTTCATCC

>trans\_c\_6231 AP009373|*Draba nemorosa* chloroplast DNA, complete sequence

GTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGCATTCCCGGCCACCAAGCGCCCAA  
TTGTTGGGAGTGGTCACGACCAGCTAAAGCTAAAGTTCCATTAAAGAGCGTTTCACGGGGTAGAACCTCCTC  
AGGGAATATAAGGTTTTTCATGAGGCTGATCTTGAGCCGCCATCCAAGCACGAATACCTTCGTTTAGAGAGATA  
TTTTTGGTATAGAAAGTCTCAAATTCAGGATCTTCCGCTGCACGGATTTCCTGAGAAACGAAGTCATAGGCAC  
GTAGGTTTCAGGGCCAGACCAACTACTCCAAGAGCACTCAT

>trans\_c\_6232 AB240139|*Nicotiana tomentosiformis* chloroplast DNA, complete sequence

CCGGGCGAGGAGGGGCTCGCGTCTGATTAGCTAGTTGGTGAGGCAATAGCTTAGGAACCAGATTGACAGAT  
GTATTAGAAATGATACCTTGGGGCGGATGTAAAGCTAAGCAAATAGCTTCGGCTCCACGAACGGAAGACTGT  
GTTGGTTGTAAGAGATGTGAATCTGCCTGTCCGACAGATTTTTTGAGTGTTTCGCGTTTATTTATGGCATGAAAC  
AACTCGAAGCATGGGTCTAGCTTATTGATACGTTCTCTAAAAGCCCCCTGAATACATTTGATTCTTTTTTACC  
GACAAAAACTCGTGCTCGAAGGCGGATATACCCTCGAACC

>trans\_c\_6233 XM\_002958627|*Volvox carteri* f. *nagariensis* NADH:ubiquinone oxidoreductase 49  
kDa subunit (nuo7), mRNA

ACGTACCAGTAGGTACCAGAGGAGATTGCTATGATCGTACTGTATCCGTATCGAAGAGATGCGACAAAGTG  
TTCGGATCATTGTGCAATGTCTTAATCAAATGCCTAGTGGGATGATCAAAGCCGATGATCGTAAGCTATGTCCT  
CCATCACGATCTCGAATGAACTATCCATGGAATCCTTAATTCACCATTTGAACTTTATACAGAAGGTTTTTCT  
GTACCAGCTTCTTCTACCTATACCGCAGTGGAAGCACCTAAAGGTGAATTTGGTGTCTTTCTGGTCAGTAATGG  
AAGCAATCGTCCTTACCGTGTGCAACGCCAGATGTTT

>trans\_c\_6234 Novel Gene

CGGTCATTTAGGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTCCCTCTCGACGATGAAGCTTATCACCCAAAAGT  
CTGTCTGTACAAACGATCTAGGCCTGTATTCGGAGTTTCCCTGGGGTTGGTAAGGCGAAATGGGGCCACCCTA  
GCCCATCAGACATCTCGTTCTAAATACGATACATCATACGCTCTACTGAAATAGATTTTCGCGGAAAACAGCTA  
TATCCGATCTTGGTTGGCCTTTACCCCTAGCCACAAGTCATCCCCGTATTTGCCACATACACAAACCTAACTC  
CTCCAAGGCCTGTTAGAGCTCTCTCAACCTGCTCAT

>trans\_c\_6235 Novel Gene

TGATTGCTTAGGGACCTTAGCGTACGATCTGGGCTGTTCCCTCTCGACTTTGGATCTTAGCACCCCAAAAGTC  
TGTCTGTACAAACGATCTAGGCCTGTATTCGGAGTTTCCCTGGGGTTGGTAAGGCGAAATGGGGCCACCCTAG  
CCCATCAGACATCTCGTTCTAAATACGATACATCATACGCTCTACTGAAATAGATTTTCGCGGAAAACAGCTAT  
ATCCGATCTTGGTTGGCCTTTACCCCTAGCCACAAGTCATCCCCGTATTTGCCACATACACAAACCTAACTC  
TCCAAGGCCTGTTAGAGCTCTCTCAACCTGCTCAT

>trans\_c\_6236 XM\_002881757|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* 40S ribosomal protein S2, mRNA

ACGTATGGTCCCTGCTCCTCGTGGTGGTATTGTTGCTGCTAGGGTCCCAAGAAGGTGCTTCAATTTGCTG  
GTATTGAGGATGTTTTCACTTCCTCAAGGGGATCCACAAAGACACTTGAACTTTGTGAAGGCTACCTTTGAT  
TGTCTATTGAAAACCTATGGTTTCCTGACACCCGAGTTCTGGAGGGAGACTCGATTCAAAAGCATACCAAATCT  
ACGCAGACCTAAGCAGCAACCCTCTCGGCATCTCCAACAACAACGCCTTTACAGTCGGTTTAGCCAACAGAT  
CGGTGTGCTCTTGAATGGAGATTGGTGAAGCGAGT

>trans\_c\_6237 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

GGGCAGGGAATATAAATCTATGTATAAAATATGCTAAAAGATAAAATCTGATAAAGGCCCATCTTATTTATTA  
AGACAATAAACCCGTTGTTACGCTCCACATCAAAGTTAGCTATAGTACTTAATCTTTTTCTTTGCTTTAATGC  
CTATTGGTGTTCAAAAGTACCTTTTCGAAGTCCCGGAGAGGAAGACGCATCGTGGGTTGACATATACAACCG  
ACCCCGCTAGATATTGGGTCATATGGTATTTCCCGTCTCTCCCCGATCGAGATATCCTCTCTTCGCCCAAG  
ACGGATTGATTAATCATCGGGGATTGAGATTC

>trans\_c\_6238 AB082376|Pisum sativum mRNA for elongation factor EF-2, partial cds

AGGGAGAGAGACAGGGAAATGAGTATCTTATCAATCTTATTGATTCACCTGGGCACGTTGACTTCTCATCTGA  
GGTTACAGCTGCTTTGCGTATTACTGATGGTGCCCTTGTTGTGGTGGATTGCATCGAAGGTGTTGTGTCCAAA  
CAGAGACTGTGCTCCGGCAGGCTTTGGGAGAGAGGATTAGACCTGTCTTGACTGTTAACAAGATGGATAGGT  
GCTTCCTTGAACCTCAAGTGGATGGAGAAGAGGCTTATCAAACGTTCCAGAGGGTCATTGAGAATGCCAATGT  
GATTATGGCCACATATGAGGATAACATGAATAAGGTAGC

>trans\_c\_6239 NM\_001064929|Oryza sativa Japonica Group Os06g0684000 (Os06g0684000)  
mRNA, complete cds

GGGTCACAGCACTCAATGGCTCTGGTATTCTGTATATGCAAGCAAGCAAGTCAGCTGGCGCACAAGATATCTA  
GTGGTATCAGATTGGACAAGAAAGTTTATATTTGGAAGAGATTGAGCCGCATCTGAAGCTAACCACCATCTT  
TTCTTAGGGTTTAGAGTTTAGTGTGGCTGGCTACAACAAAGATCTCATATGGTATAGATATCAAATTTACAT  
TCCCGACTCTCTCGAAACATACTATCATTGTTTCATCACCTTCTGTGTGTAACAAATTATCTTTGTATTTATTAT  
TTTCGACCACCTGCAAAAAAAAAAAGAGTTAATTGT

>trans\_c\_6240 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

TGCGTTCAAAGACTCGGTGGTTCGCGGGATCCTGCAATTCACACCAAGTTACCGCTTGATGTCGCTGGTAAT  
ACACCAATTTGGCCACTATTCGTAATAAAATGATTCTTTCACTTCTGAATCCCAAATAATTCGATTGCGAGTC  
AGGACACTAAGATTTAAGGTCATTTCTCAATTTGCTCTCCATTTCTAAGTTCGTAGCCTTCGCAGTAGCTTCAT  
CGATGTTACCTACCAAATAAAAGGCTTGTTTCGGGAAGACCATCTAATTCTCCGAAAGGATTAATTTAAACCCCT  
CTAATTGTTTCTGCTAGGCCAACGTATTTACCCG

>trans\_c\_6241 EU016718|Acorus americanus NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 2  
(ndhB) gene, partial cds; chloroplast

AAGAGCCTAAGAAATATTTACTCATGGGTGGGGCAAGTTCTTCTATTCTGGTTTATGGTTTCTCTTGGCTATAT  
GGTTTATCCGGGGGAGAGATCGAGCTTCAAGAAATAGTAAATGGTCTTCTCAATACACAAATGTATAACTCCC  
CAGGAATTTCAATTGCGCTTATATTCATCACTGTAGGAATTGGGTTCAAGCTTTCCCTAGCCCCCTTTTCATCAAT  
GGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGAGCAACGAAATCCATCCCGATGAACGTGGTTAAACTC  
TACTGCGGTGACGATACACATCCCCTCCAGGACATT

>trans\_c\_6242 Novel Gene

AATCTTAGGAAACGTCTGCTGAATTTATGCGCTGTCCATAAACGGACACATCGGCGTGTTTCAATTCTGATCG  
CTTTTACGCGAGAAAGGGGGACCACTCTAAGCCTAAGTATTCCTCAATGACCGATAGCGTACAAGATACCG  
TGAAAGAAAGGTGAAAAGAACCCTATTTAGGGAGTGCAATAGAGAACCTGAGATCCGATGCTTTCAATCAGT  
CGAAGGAGCGGCAAGGGAACTGAACTCTAAGAGAAAGTCAAGCTATCTCACTCTAACGGCGTACCTTTTGCA  
TGATGGGTGACGCGAGAAAATGGGAACACGCGTCCGGTAA

>trans\_c\_6243 NM\_104739|Arabidopsis thaliana ECHID (ENOYL-COA HYDRATASE/ISOMERASE D);  
catalytic/ naphthoate synthase (ECHID) mRNA, complete cds

CGATCAAATGGTGCAGAGAGATTCTAAGGAACAGTCCCACCGCCATCCGGGTACTAAAATCAGCTCTCAACGC  
CGTCGACGATGGACATGCTGGTCTTCAGGCCCTCGCCGGCGACGCCACACTCATGTTTTATGGTACAGAAGAG  
AGTAACGAAGGAAGATCGGCGTATATGGAACGTCGGCCACCGAATTTCTCTAAGTTTCCAAGAAAACCTTAAT  
TTGAATAACAATGAAAACAATCCCAACTGCCAAGGTACCGTTAATCGAAGGGTCAAAGCAATGTGGTATTTTT  
TTTTAAATAAACATTACGATTATTAATAATTACATTAA

>trans\_c\_6244 AF479122|Hypericum perforatum 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CAAGGTTTTGCAGCGACCGCCGCGCCCTCCTACTCATCGGGCCTGGCTCTTGCCCCGACGGCCGGGTATAGG  
TCGCGCGCTTCAGCGCCATAACGGGGATTTTAGCTGGTCGGATTACTTGTGACCACCGTGTGTCTCTTAGCGG  
ATTTGACTTCCATGACCACCGTCCTGCTGTCTTAATCGACCAACACCCTTTGTGGGATCTAGGTTAGCGCGTA  
GTTAGGCACCGTAAAAATTTTCCCAAAATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGGAG  
CTCTCGATTCCGTGGTGTGGCTCAACAAAGCAGCC

>trans\_c\_6245 Novel Gene

CCGAATTCTCTGTTTTTGATCTAATATCCATTTATCTAGTTTAGCGGAAGGCAGGGCAGAGCCTTTCTCAGTT  
GATCTCAGTCTCATTTCGGAAGAGGTACCAGAGCCCCGAAGGCATGTCTGGTCAAATGAGCAGAACCCTTTTCGC  
GGGCTAGGCCAGGACAGGTTAGGCGTCAATATATATCTCAACTGTCAAGGTTATGGACTCTATACAGTAGAA  
GAGCAAGAACAAGACTAAGAAGTCGAGACGAGTAGCTCGATCGGGAGAAAGATAGGGAGCCCCAGGCGAA  
GGACCAATTCAGAGCAAGAACAATAGGAGACTAGCCCTCC

>trans\_c\_6246 NM\_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

TGGTTCAAATGCCTATGCAAGGGGTGCTTTGCCAGGGCATATTCCTGCTTCTGGTTATCAAGATCCCAGATATG  
GCTATGATGGGTGAGGAATTCTTTCCCATGGTCAGATGGTCCACTGTA CTGATGGACAGTCTAGGCTTGT  
CAGTAGCTCTACTATTACCTCTTCTATCTCAAATGCAAACAACATACCTTCTTCAAGGAGTCCAAGCTTCCGTCC  
CGGATCTCACTATGTAGGTTTTCTCATCTAGACCCATGTCAGGAATGAATACCACCCAGGGTTATATAAACC  
GGATGTACCCACGCCTGGTGCACCAGTTAAAA

>trans\_c\_6247 X14794|Maize cab-1 gene for chlorophyll a/b-binding protein

TACTTGACAAGCCCAAATGGCGAGAATACTCTGCGCGTGACCAAGCTTGGGTTCCCCAAATAGTCGAGCCCA  
CCTTCGCTGAAGATCCACAGTCCAGCCCCAGGTTGTGTGACTTCACCGAACTTCACACCATTGCGAGACAAAA  
GCTCAGGGAAAACGCACCCCAAAGCTCCAAGCATGGCCCATCTGGAGTGGATCACTTCCAACCTCACGGTTCTT  
GGCGAAGGTCTCGGGATCAGTGAAAGTCCAGCAGTGTCCCATCCGTAGTCACCAGGGAACTCTCCGGTTAG  
GTAGGATGGTGGCTCACCAGAGAATGGGCCCAAGTACT



>trans\_c\_6248 AY173934|Cucumis sativus ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

CAGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCAAGTTCGGGATGGATTGGGGTTGTCTCGCGATCCCTTCTAC  
AGCTTGGCCCGCAGCAGTACCTTGACCAATCCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCCGACGGCCAACCCAGCAGC  
AATAACGGAAGCGGCAGAAATCAGTGGATTCATGATAAGTTCCTCACACCAAAAGAAAGAAATGGTTAATGA  
TACAATCAACCAATGAATTATAACTTATTATTCCATCACTAAGATTTATCCATGCAAGAAGTAGCTATCGAGAG  
CCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTAATGG

>trans\_c\_6249 AY260034|Deutzia rubens 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CCAAGTCAAGGAGTCGAAATCCGCTAGAGAGTGTGTAACAAGTGTGGACGGCTTAGTTGATCGGGGCTTTT  
ACCGCAACGCTGAAGCGCGCGACCTATACCCGGCCGTCGGGGCAAGAGCCAGGCCCCGATGAGTAGGAGGG  
CGCGGCGGTGCTGCAAAACCTTGCGCTGATAAATGGCCCCAGGGTTAGATGCCACACCCCTTACTGTACG  
TGCTCTTTTAAAAGGTTAAATTCGGAATTATTGGAAGAATTCTTTACGGAGCAAGAACAGGTTCTTTCTTTGA  
TCTTCCAAGAGCTTCTTTTACTTTACGGAGGTTGGAC

>trans\_c\_6250 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

CCAAGTCAAGGAGTCGAAATCCGCTAGAGAGTGTGTAACAAGTGTGGACGGCTTAGTTGATCGGGGCTTTT  
ACCGCAACGCTGAAGCGCGCGACCTATACCCGGCCGTCGGGGCAAGAGCCAGGCCCCGCTGCTTCTTTAT  
ATTATTGGCGCATGGGGTTTTCCCGTTCTTGTTTAAACTTTGGCTCGTAAACACAAAAGTACTGTACGTGC  
TCTTTTAAAAGGTTAAATTCGGAATTATTGGAAGAATTCTTTACGGAGCAAGAACAGGTTCTTTCTTTGATCTT  
CCAAGAGCTTCTTTTACTTTACGGAGGTTGGAC

>trans\_c\_6251 GQ997172|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, complete cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCAGCAGACGATAGTTCTAGATCTGGGCCA  
AGACGAACTGTTGTAGGGGATTTATTGAAACCATTGAATTCGGAATATGGTAAAGTGGCTCCTGGGTGGGA  
ACTACACCTTTAATGGGTGTCGCGATGGGTTTATTTGCGATATTCCTATGTATTATTTGGAGATTATAATTCT  
TCCATTTTACTGGACGGAATTTCAAGCAATTAGATTCGATTACACAAGAACCCTAAATAACTTTTCAAAAAA  
AAGGGGAATTTCCGGGTCCAACACAACCGAAC

>trans\_c\_6252 GU902271|Piper sp. SM-2010 thylakoid structural protein (psbB) mRNA, partial cds; chloroplast

TCCGTAACCTCGGGAAAAGATAACCGAGAGAGGGAGTTTACAAAGGGGGGGATGGAATAGCTGTTGGTTGG  
TTAGGACACCCTGTTTTTAGAGATAAAGAAGGGCGCGAACTTTTTGTACGCCGTATGCCGACCTTTTTTGAAAC  
ATTTCCGGTTGTTTTGGTAGACGGAGACGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCTTTTCGAAGAGCAGAATCGAAG  
TATAGTGTTGAACAGGTCGGTGTAAGTGTGAGTTCTATGGCGGTGAACTCAATGGAGTCAGTTATAGTGATC  
CTGCTACTGTGAATTTGCGCATCGACATGTGATCAA

>trans\_c\_6253 GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete sequence

CGAGCAAGAAGCAAAATGGCGGAGGTTTTAGCCGGAGTATCTCAGGCGTCTTTATTTTTCCGACCACGACTCG  
GTGGAAGTCTCAGGAGCAACAAATTTTCCGTAAACGCCTTCAATTTCAATCCACAATCGGTAGAGGAATTTCC  
TTTGATTGTAAGACGGTAGTATCTGCTATCCGTGCAACTGACTCCAAAATGAAGACATTGACATTTATCCAGA

CACCACTGGCGGTGATTCTTCCGATAAAGGGATTGGAGGAGGTGGTAGCGGTGGAGGTGACGGTGGTAGAG  
GCGATAATGAGGGGAATAGTGGGGAGGGAGAGGAA

>trans\_c\_6254 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AGGCGGGCGGAAAAGGGGGGAAAGCTCTCCGTTCTGGTTCTCCTGTAGCTGGATTCTCCGGAACCACAAGA  
ATCCTTAGTTAGAATGGGATTCCAACCTCAGTACCTTTTGAGATTTTGAGAAGAGTTGCTCTTTGGAGAGCACAG  
TACGATGAAAGTTGTAAGCTGTGTTCTGGGGGGGAGTTATTGTCTATCGTTGGCCTCTATGGTAGAATCAGTCG  
GGGGCCTTCGAGGCGGTGGTTTACCCTGTGGCGGATGTCAGCGGTTTCGAGTCCGCTTATCTCCACCACGCCTT  
GGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTC

>trans\_c\_6255 HM602043|Cicer arietinum Na<sup>+</sup>/H<sup>+</sup> antiporter (NHX1) mRNA, complete cds

AGAGCTGGGCACACTCAACTTCGAGGGAATGCAATGATGATCACCAGTACCATCACTGTTGTCCTCTTCAGCA  
CGATGGTGTTTGGATTATTGACCAAGCCTCTTATTAAGTGTGTTGATACCTCAACCAAAACACACCACCAGCATG  
CTATCGGACCCTGGGACTCCAAAGTCATTCTCGGTTCCACTACTCGGAAGTGACAGGATTACAGAGCTGGATC  
TTGACAGTCCCCATGTTCTCGTCCAAGCAGTATACGTGCACTCCTTGC GACTCCTACACACACCGTTTCATCGCT  
ACTGGCGAAAGTTCGACGATGTCCCTGCATA

>trans\_c\_6256 GQ998084|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

ACCGTCAGCGCACAATCAAATATGGTTTTTGGGGTTGGAATTTGTGGCGTCAACCTATAGGGTTTGTTATTTT  
TCTAATTTCTTCCTTAGCAGAATGCGAGAGATTACCTTTTGATTTACCAGAAGCAGAAGAAGAATTAGTAGCG  
GGTTATCAAAGTGAAGTATTCAGGTATAAAATTTGGTTATTTTATGTTGCTTCCTATCTAAATCTATTAGTTTCTT  
CGTTATTTGTAAGTGTCTTTACTTGGGTGGTTGGGATATCTCTATTCCATACATATTAGGTTATGAACTATTTG  
AAATAAAATTTTTGTAAGTTCAGGGG

>trans\_c\_6257 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

GAATCTAACATGTGGCTTACTCCAAACATAAAGCGATTATACATACGTAAACATGATATCTGAGGAAAACTT  
AGACTTTGACGATAACACAGCTATCTATTTAGTAGACTAGAATCTAACATGTGGCTTACTCCAAACATAAGCGA  
TTATACATACGTAAACATGATATCTGAGGAAATCAATTAGAAGTATTTCAAATAGAAAATAGATAAGAGATC  
GGGCGACCCCGTGGGTCTCGCGCCCCGACCGCGCAAGCGCGTTCGTGCTTGCAGAGCGCTTCCGACGCGCCC  
TTGTCGTGGCGGGCGGGGCTCGACACTCATCAGG

>trans\_c\_6258 AB177651|Daucus carota DcPA 5 mRNA for plasma membrane H<sup>+</sup>-ATPase, complete  
cds

AGAGTGACCACAACACGGCACTAATGATAAACTCAAACCAGGCTCGGTAAGAACAAATGTCGGATGCACCTC  
GTGCAGCGTCAGTGGCATCAGCAACAGCAATACCAATATCTGCCTTCTCAAAGCAGGAGCATCATTACACC  
ATCTCCAGTCATTCCACAAATGTGCTTTCTTTCTTGCAACTCTTTACAATTTCTGATTTGTGTTCTGGAAATACT  
CCAGCGAATCCATCAGCCTTCTCAATCAACTCTTCAACTGGAAGGCCAGCAATGCTTTCGTCTTGTGCTGGCC  
GAGTAAGGAAGAAGATGGATACATGTTTCG

>trans\_c\_6259 GQ998460|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 cytochrome b6/f  
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

TTCTAGAACCATCAATGATTGGTGAACCCGCAGATCCATTTGCAACTCCTTTGGAAATATTGCCGGAATGGTAT  
TTCTTTCCCGTATTTCAAATACTTCGTACAGTGCCACGCGGTTTATTGGGTGTTCTTTTAATGGTTTCCGTACCG  
GCGGGATTATTAAGTGTACCATTCTGGAGAATGTCAATAAATTCCAAAATCCATTCGTCTGTCAGTAGCGAC  
AACCGTCTTTTTGATTGGTACCGCAGTAGCTCTTTGGTTGGGTATTGGAGCAACATTACCGATTGATAAATCCC  
TAACTTTAGGGCTTTTAATTTAACAAT

>trans\_c\_6260 Z11512|*L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

GGGCATGCTTAACACATGCAAGTCGGACGGGAAGTGGTGTCTTAGCTTACTCCTTCCAAGAGGCTCAACGCT  
TTGTCTCGCCTTTCAAGGTGGGAAGAGTTGAGAACAAAGTGGCGAACGGGTGCGTAACGCGTGGGAATCTGT  
ATCCACTGGTAAATTGGGCTTCAGGAGGGGCTAAAAAGCGCTGTTTGATGAGCCTGCGTAGTATTAGGTCGT  
GGTCAGGTAAAGGCTGACCAAGGCGATGATCAGTAGCTGGTCCGAGAGGATGATCAGCCACACTGGGACTG  
AGACACGGCCCAGACTCCTACTTCTCTACTAGACA

>trans\_c\_6261 GQ997952|*Berberidopsis corallina* voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome f  
protein (petA) gene, complete cds; chloroplast

TGGGTCAAACCACCCTTTTTACCATTCGCAAGAACTTGTTTCAGTTGCATATCATAAGGAATTCGAACAACCTGC  
TTCAAATACAGTATCAGGAAGTACCGCTTGTGGAACCTCGATATCCACGGGCTTATATCGCGGGCAATGACCA  
ATATGAGTGGCGCGGCCGGTTGCTTCTCGTGGATTTTCATAACCCTGTTGTGCAAAAATGGGATATGCATTG  
AAACGGGTGCCCAAGTTATTATATATATCATGAGTGATACGGAAATAGATCGAGTAATCTCTTCTTTATCGAA  
GAAAAGGTATTTCTAGTTTGCATGGTCCA

>trans\_c\_6262 Z11512|*L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

CGAAAGGGGAGTTGATCGGATGCTGCCAACTTGGTCAGCCTTTACCTGACCAACGACCTAATACTACGCAGGC  
TCATCAAACAGCGCTTTTTAGCTTTCTTCAGGATTTGGCCCGTTGACAAGCGCAGATTCCCACGCGTTACGCAC  
CCGTTCCGCACTTTGTTCTCAACTCTCCACCTTGAAAGGCGAGACAAAGCGTTGAGCCTCTTTCTTCTGCC  
TAGCTCCCCGAAAACAACGTTGACTTGCATGTGTTAAGCATATAGCTAGCGTTCCTTCTGAGCCAGGATCAAA  
CTCAGATTTTTGTATGATTCCCCTTC

>trans\_c\_6263 AM233528|*Lycopersicon esculentum* chloroplast partial mRNA for red chlorophyll  
catabolite reductase (rccr gene)

GACGGGAATTTTGGTGGGTGTGAAGTGCGAGGAGAGCGAGTCCAAGCGAGTGGAAGAGATTGTTCTGGGAG  
GAGATCGGTCCAATCTCGAAGGAGGTAATGAGGATATGGATGGAGTTGTGCTTGAATGGAGGAAGAGAGCT  
TGAAGAAGATGAAAGAAGTTTGATGGAGAAGAGAGATCTTATGATTAAGAGGAAGGCGATTGAGATGGATT  
TGAGCAAAAGCATGCCTTTGCAATTTGGAGAAGAAGTTGCAAATAGAGTTCTTCAAGTTATTAGAAGTGCTTT  
CAAAACTGCTTAATATAATGTTTGATTATCTTTCCAC

>trans\_c\_6264 HM363081|*Chasmanthium latifolium* photosystem II CP43 chlorophyll apoprotein  
(psbC) gene, complete cds; chloroplast

TTGCGAGAAATTACCTTGAAATCGAAATCGACCAGCGTGACACAGAAACCACCGGTTTCGCTTGGTGGGCCG  
GGAATGCCCCGACTTATCAATTTATCCGTTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGATTAATCGTATTC  
TGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTTCGTACCGGAGAAGCCCATGTATGAACAAGGATTA  
ATTTTACTTCCCCACCTAGCTACTTTAGGTTGGGGGGTAGGTCCTGGTGGGAGGCGGCTTGACGCCTTGGCCG  
TACAGCAGCCTCTTACACAGAGAATGAGGGTA

>trans\_c\_6265 EF422880|Hanguana malayana ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds; and ribosomal protein S7 (rps7) gene, complete cds; plastid

GGGCTTATGCCGCTATTTGAGAGCCTGTCACCCTAAAAAAGTCGAGGCATTTGGAATTGTTGTTGACACGGA  
CAAAGTCAAGGAAAACCTCTGAAATTATTTCAATATTGGACCTTGACATATAATAGTTCCGAATCGAATCTCT  
TTAGAAAGAAGATCTTTTGTGTTGTCTCATGGTAGCCTGCTCCAGTTCCTTACGAACTTCGTTATTGGGTTAG  
CCATACACTTCACATGTTTCTAGCGATTACATGGCATCATCAAATGATACAAGTCTTGGATAAGAATCTACAA  
CGCACTAGAACGCCCTTGTTGACGAT

>trans\_c\_6266 AJ430971|Carpodetus serratus chloroplast tRNA-Leu gene for transfer RNA-Leu and partial tRNA-Phe gene for transfer RNA-Phe

GGAACAAATATGGGTCTCCGATAGAGAAGAGAGAGATGAAAGAAGATAGACAAGAAATCCAATAGGAGGA  
AACACTTTTCAATAGAGGAATCGGTATTCTAATGACTTGAGTGGTTCCAGTATAATACAAATGAAAGAAAACG  
GGGAAGGACATCATAATGCGATACTAATCTTAAAGAGGGGGATATGGCGAAATCGGTAGACGCTACGCTG  
AATTTTATTACTAGTGGTTAAAGTCGTGAGGGTTCAAGTCCCTCTATCCCCACCACGCCTTGGCCGTACAGCAG  
CCTCTTACACAGAGACGTCTTCACTTACAGGGAC

>trans\_c\_6267 FJ467933|Carica papaya transgenic cultivar Rainbow beta-glucuronidase (uidA), coat protein, and neophosphotransferase genes, complete cds

AAAACCCCCACTCGGCCATCTCTCCTACAGAATGATTATGGCCCAGAAACCGAGTTAATAGTGAGTCATTAATA  
TTGGCCCCCCCCCAGAGACACACAAAACCAATTCTAACTATACAAATAATTTTTTTTAACTATGTTTAATGGA  
TACTTTTAGCTCATGATTCTCGGGCTAAAAATAAACTATGATTCCTTTTTTCTAAAAATTCGACTTTTACAGTTTT  
CGATTTTTCACCAACAAGTGTATCCCATACATATCTAGTCACAAGTTATGAATCATAGAATGATTATTCGC  
GGAGGGGGGTAGAGTTTTTGCGC

>trans\_c\_6268 EF010876|Harpanthus flotovianus NADH dehydrogenase subunit 7 (nad7) gene, exon 1 and partial cds

AGAGTACAAAACCTTATCTTCAAGCTTTACCTTATTTTGATCGTTTAGACTATGTTTCTATGATGGCCCAAGAACA  
CGCTTATTCTTTAGCTGTAGAGAGACTTTTGAATTGCGAGGTACCATTACGAGCTCAATATATACGAGTCTTAT  
TCTGTGAAATCACTCGAATTTTAAATCATTTACTTGCTTAACTACTCATGCTATGGATGTGGGAGCATTAACTC  
CGTTCCTGTGGGCTTTTGAGGAGCGGGAGAAATTATTTGAAAAGATTGAAAGAGTCTCGGGAGCCAGGATGC  
ATGCCAGTTTCAGGTAGGTGAAACC

>trans\_c\_6269 HM122502|Malus x domestica C2H2L domain class transcription factor (C2H2L28) mRNA, complete cds

CGAACAAGCACGTGACATGTATTCAAGCTTGACGTAAACAAATGCCCTACCTTTCTTTTCATCTTTCTCAAATT  
CTTCATAGAAGTCATCGTCATCGTCATCATAGTATTCTTCATTATCATCATCGTCGTAATAATATTCTTCATCAAG  
GTCTGAGTCACTGTCCTTGCCTTTCGATATATATTTAGCTGCTGTGCCCCCATCAGTCCATGGCTGAAGAACA  
TAGATGCCAAGCGCCGAAGCTTTGTGCGAACAAGTGCAGATTTTTTGGCAGTCCCGCGACAAGAGATCTCTGT  
TCAAAATGTTACCGAGATCTGCA

>trans\_c\_6270 FJ042876|Nicotiana glutinosa nonexpressor of PR gene, partial cds

AGCGAGAGAAGAGAAAGATCAGCTAATAGCATGAATATCCTTCGCCCCGTTATCTCCTCATCTTCCTATTTATAA  
GGCAGAGCTGACTTCGACGTTTTCAATTTCCATAGAATCTCCGGGGGCTTTCCTAGCAACTCTCGTTTTGTTTTT

TTATCTTCTTTGTCTGAAAATGGGTTTGATTTGCTTCACCTATGAACATTTCTACGGATTCTTCTTTTATTTCAGCA  
AAGCTCATCCTAATATCCGTCGAGATTACTGCCTTAGCCCTGTCCTATCATCTGTATAATGGGGTTCGTCATTTA  
TTTCATGATTTTGCTTTTG

>trans\_c\_6271 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ATGCGATCAGATACCGTCCTAGTCTCAACCATAAACGATGCCGACCAGGTCGACCGCCTGTGGTGTTTAAGGG  
GGGGTAGTTCGATCGTGGAATTTATTTTTTCTGTATTTCCGGAATATGAGTAAAGTGTATGATTGAATTGATC  
CTATGGATACGACAGAGAAGAAGTCGGTCATCTTGATGAAGATGATTTTATCTCGTTGGATATTCAGTCTAGG  
CTAGTATCTGGAGCACAGAATATATGAAATAGATTCCAAAATATTAGAACAAATATTAGAACTATGATTCATAC  
TTATCAGACCTCGTGGCCGACTCC

>trans\_c\_6272 X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

TCAGCCGGCTGGTGGGAGCGAGAAGTTTGGGATATGTTTGGTGTTCCTTCATCAATCATCCGGATCTACGCC  
GTATATTAACAGATTATGGTTTCGAGGGTCATCCATTACGAAAAGACTTTCCTCTGAGTGGATATGTGGAAGT  
ACGCTATGATGATCCAGAGAAACGTGTGGTTTCTGAACCCATTGAGATGACCCAAGAATTTTCGCTATTTTCGATT  
TTGCTAGTCCTTGGGAACAGCGTAGCGACGGATAATTCAGAATCAGAATAGGTCCAGTCCAGGGGACAAATC  
AATAGGAAATGCTATTCGTA CTGTCGT

>trans\_c\_6273 AF487258|Stephanandra tanakae isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE)  
genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

ACTATTTTCGGATCAGGAAAAGTGGGGGTAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCT  
TGGAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCCGAGCGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTC  
TACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCTAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTAAGGAACT  
CGGCAGGGCGACAGATGTCACAATAACATCTCTTAGGGACAGAAACAAAGGACATTTTTTATTTATTTCTCTCC  
ATTGGTATACACAAATTATCTTGCCAT

>trans\_c\_6274 EF595935|Cucumis melo isolate 2007-B28 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence;  
chloroplast

ATCAACCGCTTGAAATAGGGCGCTCGGATCCCTATACAAGAGGAGATTATAACAATCTTCCAGTTATTTATTT  
CGTTCCCCGCCCCTATTTAATATAATCCTTAGGAAAAGTATTTTGTTCGCGGAGCTAAAAAACGATGTCGA  
CGTCTCTAGTAAACCAAGACATTGTTTAATAGAGCGGGGTGGGGTAGGACCGAGAAAGGCGCACCCTTTTT  
TTAACTTCTAAATCAATGCTAATCTTTTCACTACACTAGGTAGGGTTGCTGTCTCACTGGCCGACCTTGACCCCT  
GTTATTTTGAGATCATATCTAGT

>trans\_c\_6275 NM\_001062710|Oryza sativa Japonica Group Os05g0539700 (Os05g0539700)  
mRNA, complete cds

AGAAACTTCTGAAGAAGAAGCCTAAGAAGGGATCGAAGAATGCTAAGCCGATCACTAAGACTGAAAATTGTG  
AAAGTTTCTTCAACTTTTTTAGTCCACCTCAAGTACCCGATGACGATGAAGATATTGATGAGGATACTGCTGAG  
GAGCTACAAAATCAAATGGAGCAAGATTATGATATTGGATCAACATTCGAGACAAGATTATCCCCACGCCG  
TCTCATGGTTTACAGGGGAGGCTATTCAAGATGAGGAATTTGAGGACATGGACAATGATGATGAAGATGATG  
AAGATAATGATGACACCCCAAATGATG

>trans\_c\_6276 AJ311624|Pisum sativum mRNA for Germin-like protein (glp3 gene)

CAAGCCCGAAACGCTTTAGCAGAGAGCTGACAAACCCAAGAGCAGTGTTTTGCCAGAGTTTATTTGAAAGTG  
CAGCAGTCCTTGAGGGAATACCATAATGTCACCTTTGTTCAATGTTTTGAAGTATACAGTATTCGCCGACGAAA  
CAAACCCGGCACAGATCGTGCCTTCGACCACGAGCAGAAATTCGGATCCGGCAGGGTGAGTGTGCATTGGTA  
TCACTCCGCTACTGCTATGTGCGAGGCGAGCTAGAGAGATTCCAAGGCCATTACACCCGGGAATTGGGCAGT  
GAAGGCGGGAGTCACTGCATTGGTA

>trans\_c\_6277 AJ271079| *Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

TATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTTCAACATCAAAAACAACAAAACTA  
GAGCAAACATATAATAACGGATTCTAAATTGTACCCAAGCATCGCCCATTTGTTTCTATTCCCGATTCACTC  
GAAAGTTTCTCTGGCTCTTTGCTAAGAGGGGCTAAACTCCAGAAATTAGAAATGCCAAATAGGAATAAGAC  
TTGATATTATTAGAAATACCCAGAAAATATCATATTCGTAAAGCAGAAACATAAACGTACTCCTATCAATGTGG  
AAAATATACCGGATTAGTCGATC

>trans\_c\_6278 M16056| Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate  
carboxylase/oxygenase, complete cds

GCTGGGGTCGCAAATATGTCTACCTTAGTGTAGACAAAATGGGATAAAAGAAACCCATCATCTGTGGATACCA  
TCCCTACGGTTGTCTGGCCGCTGCCTGATCTCCCAAACCCCTTGCTTCCTTTCCCAAATGCTCGTTACTCATATC  
AGGAAGGTAAGAAAGAGTCTCGAACTTCTCAATCCAAGTGGTGCCACACCTTCATGCACTGAACTCTTCCA  
CCATTGCTAGCCAAAGTGGTGATGTCGTTGTTCTTTCTTTTCAAAGAGTCTCGCAAATATAGGCATTTTTAGT  
CACTTTCACCGGCTGCCGTC

>trans\_c\_6279 EF207455| *Rhodoleia championii* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TACGACCAATCGGCCGGCAGCCGACCGCTCTACCACTGAGCTACTGAGGAACAACGGTAAATTAGGTCTCAG  
AGAATTCAATTCCCGTTCTCAACCCATGACCAATATGAGCTCGAGGTTTCCTTCGTAACCTCCCGGAACCTTCTCG  
TAGTGGCTCCGTTCCATGCCTCATTTTCATAGAGAACCTCAAAGTGGCTCTATTTATTATATTCCATCCATATCC  
CAATTCCATTCAATTAATCCCTGTTGTGTCATTGAGATAAGAGATGTCGTTTCTAGTCTATCTGTTGAGCGGG  
AGCGTTCAAATCACCTGGG

>trans\_c\_6280 EF185297| *Pisum sativum* LATE BLOOMER 1 (LATE1) mRNA, complete cds

TGGCGTTATGGGAAAATATGCAGTTAGAGAACTAAAGCCACCTACAACCTGCTACATCTCGTGGGTCTGGAAAA  
CATCCGCAACTTGTACCATCAACTCCAAGATGGGCTGTTGCTAATGGTGCTGGTGTATATTAAGTGTATGTGA  
TGAAGAAGTTGCTCGATATGAGACTGCCACGTTGACAGCAGCAGCTGTTCTGCACTTCTACTTCCTCCACCAA  
CTACAGCTTTAGATGAGCATCTAGTTGCTGGGCTACCTGCTTTGGAGCCTTATGCACGGTTATTTACAGGTAT  
TATGCTATTGCTACTCCAACA

>trans\_c\_6281 AY173934| *Cucumis sativus* ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast  
gene for chloroplast product

TAGCAGTGTATAGTAGAGAAAAACACACCCCCTAAAAAGGATTTTTGTTGTCTCGCGATCCCTTCTACAGCTT  
GGCCCGCAGCAGTACCTTGACCAATCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCGACGGCCAACCCAGCAGCAATAA  
CGGAAGCGGCAGAAATCAGTGGATTCATGATAAGTTCCTCACACCAAAGAAAGAAATGGTTAATGATACAA  
TCAACCAATGAATTATAACTTATTATCCATCACTAAGATTTATCCAATAAAAATTACGAATCGAGAGCCGAG  
ATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGT

>trans\_c\_6282 Novel Gene

ACCCGGGGAAAGCAGGGAGACAAGACTGCTCCGCTACTTTATCCTATATATTCCCACTTAGCGGTCTGGACCT  
CTTTTTTCGGAAAAGATTCCACTAAAAGGCCTCCGTAGTCCGCTCCCTCCTTACCTTCTTTCAAGGTTGAATA  
TTCAAGGTTTGAAGTTAGAAGTTTCCGGATAAGTTTCATAAGGACTCCCCATTTTTCTTACCGGAGCCTTCTCA  
CTCAAATTCTTTGAGCCTCCAGACCTACTAGAGAAAGCCCCACTCCGCGGAAGAATCCATACCGAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6283 AY865171|Lactuca sativa chloroplast inversion region

TATGGGTTTCAATAAATTGAAGTATTGCTAAGACTTTTTCAAAAACTACCCATGTCATAAGAGTATAGATTACT  
ATGGACCAACTAACCCAATGACTATACATGATTCCATAAATGAATCAATTACATACCAGTTCCAAGAAATTAGA  
GGTTATGGTAAACTTCGTTTAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGTGCGACTTGAAGGACATGATCCACTGT  
GGATTCTTACACCCACCATTTTATATTATATAGGAATGAAGATGCTCTTGAAGTACGACATAGTTTGTTCGGTTGCA  
CTCGAGTCTCTTTTCCCCG

>trans\_c\_6284 XM\_002316491|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 21 (CPK21), mRNA

GAAGAATCAACTATGATGAATTCTGTTCAATGATGAGAAGTGGAACCCAACAAGCAAACTCTTTAACATGT  
AGAATGACAGAAGATCGATGAAGGGATCGTCTCCTGCGGAATTACCGTAGAAGAGCTTGTCTGTTGACAGCA  
AAAATATCGAGACTACACCTAAAACGTTGATTTGAGGTTTAAATGTGATATTTTGCATAGCAATTGAATTGGT  
GTTTATATTTTCTGTATAATTTGTTGGCCTGTATAAGATATATGCTGATGTTTAAGGACAGTTGCTTGGTGGG  
AGAATTTGTATTTGCCTCAA

>trans\_c\_6285 Z23097|P.sativum gene for metallothionein-like protein

TTAAAGTTTCTAAGTTTAATTTACTTCAAAAGAAAAATGGCAAAGTGTCCCTGTGGCTCAGCCTGCAACTGCAC  
TCCCAACAAGTCTCATGCAACCATAATGTTGCTTCCATGAAAGAGAACTTCGAAGGTGATTGTGGCTGCAAC  
AAATGCTCATGCGGAGACAACCATGTCACGTTAAACGTACCAGCGATTATTTCAAAGCTTTCGATATGGAAAG  
CATACTAATTTACATATTAATGTGCTTCTAATGATTTGAATTATGTATCAAATGGTTGTGTGTGTATGTTGCC  
CCAACACACAACCTAGCCA

>trans\_c\_6286 EF207454|Pterostemon rotundifolius inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TGGGTGTGAAGCAGTGTCAAACCAAAATACCAACAAGCATTAGCTCTCCCTGAAAAGGAGGTGATCCAGCC  
GCACCTTCCACAGTAATCGTCTTGTTACGACTTCACTCCAGTCACTAGCCCTGCCTTCGGCAGAAAAAGAAGTG  
CGGTTAAGGTAACGACTTCGGGCATGGCCAGCTCCCATAGTGTGACGGGCGGTGTGTACAAGGCCCGGGAAC  
GAATTCACCGCCGTATGGCTGACCGGCGATTACTAGCGATTCCGGCTTCATGCAGGCGAGTTGCAGCCTACAA  
TCCGAAGTGAAGACGGGTTTTTG

>trans\_c\_6287 DQ785847|Cucumis melo subsp. agrestis maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

AATATCAAAATCCGACGAATCGATCCAGTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAATTTTCGCTT  
TAGCCAATGATCCAAGCAGAGTAATAATAGGAACTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAAA  
TGAATTTTCTAACATCTGAGTCCATACCACTGAAGTATTTAATCGAACACTTGAAATATAGCCAAAAAGTCAA

GAGAACGCTTGACCAATTGGGTAGATCAAGAAAACAGCAGTAGCAGCTGCAACAGGAGCTGAATATGCAACA  
GCAATCCAAGGACGCATACC

>trans\_c\_6288 NM\_116964|Arabidopsis thaliana EXO (EXORDIUM) (EXO) mRNA, complete cds

ACAAATCAATTCCTCGAAAAAGAAAAATGGCTTCCTTCACTTTTGTATTTCATCAATGATTGCTTCTTCATC  
GCCATCTCCCTCTTCCAAATCTCCGCATCGCGTATGCTAAGCGAGTTCATTCCCGACCAAACCCAGTCTCTTAAA  
TATCACAATGGTGTTCTTCTCTCCGGCAAATCAGCGTCAATCTTATTTGGTATGGTAAATTTAAGCCTTCTCAA  
AAAGCAATCGTCTCCGATTTCATCAGCTCTCTCTTCTCTCGTCCTCAAATCACCGAACCATCAACTCTTCTCT  
TCCAAAGGTTT

>trans\_c\_6289 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

CCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTTCGTATTTTCATAGTCAGAGGTGAAAAA  
GAAAAGTCTTTTTTACTACATATAATGGATTTGCCTGGACCGATACATGATTTTCTGTAGTCTTGTGGGATTA  
GGTCTTATATTAGGAAGTATGGGAGTACTATTATTTAACAACCTCATTATTTCTGCTTTTTCGTTGGGACTGGTT  
CTTGTCTTATATCCTTATTCTATATTCTAGCAAACGCCAGTTTGTAGCTGCTGCGCAACTCCTTATTACGTGG  
GAGCTATAAATGTT

>trans\_c\_6290 XM\_002890231|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipase family protein, mRNA

GAGCCTCCTTGAGTCTCATCTCATTCCATCAGCCTCATCTGCTGAGTCAAAGGTGTTTTATCTCAAAATGAAAG  
GTGATTACCACAGGTACCTCGGCCGCGACCACGCTAGCGGCCGCCCGGGCAGGTACTACAGTATGATGAAGG  
ATGCTGGAGTTGATGTATCATTCAATGAATTTGAATACGCGCATCTGGACTTCACTTTCTCACACCGGGAGGA  
GCTTTTGTCTTATGTGATGTCTCGGCTACTTCTGGTCGATGAGCCTGGATCAAACCGGAAACCGAAGCTTTCAC  
AGCAGAAGGTATCAAAAGT

>trans\_c\_6291 EU017282|Trachelium caeruleum photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,  
partial cds; chloroplast

CAACGGAGGTAAACCCTACCCTAGTGCCCGAAAATAATATTCCAAACAGGGTGTATGTTCTCCGTTCTTGTGT  
GGATAAGACCTATGTTATAGAGTATATAACTTCGATCATAGGGATCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAA  
TTCTGTAGAGCTTCGCATAATTTCTTCGGATTGAGCCGACATCCCAAGAGACATTAAGGTGGGCATTTCGAA  
AATCCCCGGAAGTTGTCGGAATTATTCGTAATAAGATATTGGCTACAATTGAAAAGGTCTTATCGATAAAATTT  
CCATTTATCCCACCAGA

>trans\_c\_6292 AB494650|Colocasia esculenta chloroplast rpoC2, rps2 genes for RNA polymerase  
subunit beta", 30S ribosomal protein S2, partial cds, specimen\_voucher: TI:Ohi-Toma Col01

GTTTGTGGATCCTCAGCGGGAAACGAGCAGTTTGAGTAAGATTTATAATATGAATACCTTTACGTTTTGCAGA  
GATATAAGGTGCCATTCTAGGATTCCATTTCTAGTACCATGACCAAATGAACTCCTGCCTCCATCATCTCTCC  
CAAATGGATGTTCCAATATCTTCTGTCAATTTCTCCCCCACTTCCTCGCTTTTTTTCTTAAAAAAGAGACGAG  
CTGAAATAGAAATAAATAATTGTTCCCATGGAACCTTATCTCTACCTCGACCGGGGATTGACTGTTGATACAC  
AATCAGGGCCCTT

>trans\_c\_6293 HM440161|Camellia sinensis lipoxygenase mRNA, complete cds

GACTTAGAGAAGAAGAGCTCAAAGCTTTGCAAGGGGATGGCGTTGGCCAGCGTGAGGTCCACGAAAGGATA  
TATGACTATGATGTCTACAATGATCTAGGCGATCCCGATAAAAATCTCGAACTCAAAGACCTGTACTTGGTG



GAAAACAATTCCTTATCCTCGTCGATGTAGAACCGGACGCCACGTTCTAAGGAAGATCCTTTATCTGAATCA  
AGAAGTTCAGACAATTATGTGCCACGAGATGAAGCATTCTACCCGTGAACACCTACCAGGGGCTGTGTCTCA  
CAGACTTCTCGTTGTCCCCA

>trans\_c\_6294 GQ997194|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 RNA polymerase beta"  
subunit protein (rpoC2) gene, complete cds; chloroplast

AGGGCGTGCTTTGGAAGAAGCGATCTGTTACCGAGCCGTATTATTGGAATAACGAAAGCATCTCTAAATACT  
CAAAGTTTCATATCGGAAGCAAGTTTTCAAGAACTGCTCGAGTTTTAGCAAAAGCCGCCCTCCGAGGTCGTA  
TCGATTGGTTGAGAGGTTTGAAAGAGAACGTTGTTCTAGGAGGAATGATACCAGTTGGTACCGTCGGAATCTC  
ATTAGCGCACCGTTGAGGCAACATAACAATATTCCTTTAGAACCCCCCAAAAAAAAAAACCCCCCCCCC  
CCACCGGCGCGACTACCT

>trans\_c\_6295 AY058069|Arabidopsis thaliana At2g46080/T3F17.27 mRNA, complete cds

ACAAAGCCCGCATCAGAACCTTGCCTTTGCAAAGTTCCTAACCTTTGGAAGATCAAGTGATCCTACAAGGCT  
GTCTAAGATTACACAACAATTTCTAATTCTAGAACTTGTTGGTGCTGATGTTCTGTCTCCATTCTTCTAAGGAAGT  
ACGAGCTCTAGTAAGTCGTTCTGAATCAGCAGAATCCAGATTATGGATGACGCACCGAAGCATGAGGTTGCTT  
TGGTTCAAGTGTGAAAGCTCTGAGCTAACAGCGTTACAGACATCAAGTAATTTCACTGATGTCCAGATATA  
CATCGATCAACTTCTCA

>trans\_c\_6296 GQ384335|Orotea aff. fimbriata ERS-2009 voucher XAL:E. Ruiz-Sanchez et al. 186d  
internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and  
internal transcribed spacer 2, partial sequence

TTTATTCTGCTACCATGCTGCACAACTGAAGTTAATTTAACATAAAATGAGAATCTTCCAAATTCATCCATGG  
AAAGCTAGCTAGCGTAAAGGAGAGGAGGAGACTCATCTCGTTGCCCTTCGGAAAAGAAAGAACTGAGTA  
ACACGAAAGATTAAAAAAAAAAGAAAAAAAAAAGGAAGGAAGGCTTGTAACCAACCAATGCATCT  
CCATGGGAGGGAAATCAACCGCCAGACTTACACCAAACTTCAAAGAATGGGATAGGATAGCTCTGAACA  
ATCTTTACATGGCATAGCAC

>trans\_c\_6297 BT026424|Arabidopsis thaliana At3g21570 mRNA, complete cds

TTTTCTTTTTGTTTGTATTTTTGGAAGATTTCTTAGGGATTTGTCTTCTTCATTCATGGGGACTGAGATTTT  
AAGACCTCAGGATTGTTTGATCGAAAGGATCAGAGTTCCACCGGCAGCGTTTTGTCGTCGGAGGAGTTCTTAT  
GGAACTATGATTCCAATATTTGTAACAACTATAATCCTAGATCTAACAGGAAGTCGGTGGCTCGTTCGGAGC  
GTTTCGGAGCGGCCGAGCAGCGGAAGAGATTTGTTCCGAATCATTCAGAGCCGTCGGTCTCACCTCTGCTAG  
ACCTTAGTCTAAAAG

>trans\_c\_6298 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

TCAGTCCCAGTGTTGGCTGATCATCCGAAAAGACCAGCTAAGCATCATTGGCTTGGTCAGCCTTTACCTGACCA  
ACGACCTAATACTACGCAGGCTCATCAAACAGCGCTTTTCTAGCTTTCTCAGGGCCCAATTTACCAGTGGATAC  
AGATTCCCACGCGTTACGCACCCGTTCCGCACTTTGTTCTCAACTCTTCCCACCTTGAAAGGCGAGACAAAGCG  
TTGAGCCTCTTTCTTCTGCCTAGCTCCCCGAAACAACGTTTCGACTTGCATGTGTTAAGCATATAGCTAGCGT  
TCCTTCTGAGCCA

>trans\_c\_6299 L24044|Balanophora fungosa 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TATATAGAGAGAATCCCCCCCCCACACACTCGCTCTCCCCCTTCTTCGTCTTCCCTCTAAAAGAAAGAGGAAT  
ATTTTTCTTTTTTGTAAAGGAGATATCGTAGAAGGAAGTGTCGTGAGGCGAAAAATCAATAACAAGAAGGAAA  
TCACCTGGTTGAGACTAGGACGGTATCTGATCGTCTTCGAGCCCCAACTTTCGTTCTTGATTAATGAAAACAT  
CCTTGGCAAATGCTTTCGCAGTTGTTGAGAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATC  
ACTGCACTTCTTGT

>trans\_c\_6300 NM\_001072104|Oryza sativa Japonica Group Os11g0113200 (Os11g0113200)  
mRNA, complete cds

GATGAAAAGACAACCAGGAGGCAAGGAAGAAGAAGAAAAATCAAGCCTAAAGAAGAGACAAAAGTGGAATC  
AACTCCAAGCCTATCAAGGCAATGAACAAGGGCTCGCATTAAAGCTATCACCTGGACCTTTGTTTTTGAACAG  
GTTAATATGGATAGTCAAGAGGAGCGAAAGCGGCTCGACTGTCAGGAGAGGAGCGAAGCCACTCGACTGAG  
GTTAGGAAGGAGAGGGGCGAAGCGAATTCCTTATCAAAGAATTTGAGAAATCCATATTCAAAGCGGGTTAGT  
GGAATTCATGAGTTGCACTCCT

>trans\_c\_6301 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

GAGTGCTCTTAATTGCCGTCACTCGCACAGCCATATTATTAAGCTTGTGGTAAGAACGGGTTTCGTTTCCTG  
TAAATCCCCGCCGCGGAACCCTAGGGTGTATGTTCTCCGTTCTTGTGTGGATAAGACCTATGTTATAGAGTAT  
ATAACTTCGATCATAGGGATCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAATTCTGTAGAGCTTCCGCATAATTTCC  
TTCGGATTGAGCCGACATCCGTTACGGTCGTTCTGTTATTCCATTGAAAGAATCTCCGTTCCAGAACCGTACGTG  
AGATTTTCATCT

>trans\_c\_6302 D10335|Oryza sativa mRNA for adenylate kinase-b, complete cds

CACGCCCCGGCAGGTAGGGGGACCCAATCACCAATCATCAAGGACGATTACTGCTTGTGCCACTTGGCTACTG  
GTGATATGTTAAGAGCGGCTGTTGCTGCTAAACTCCTCTTGGTGTCAGGCTAAAGAGGCTATGGACAAGG  
GTGAACTTGTCTGATGACTTGGTTGTTGGCATCATTGATGAAGCAATGAAGAAACCTTCATGTCAGAAAGG  
CTTCATTCTGGATGGATTTCCAAGAACTGTAGTTCAAGCGCAGAAGCTTGATGAGGTGCTTGAAAAGCGAGG  
AGTGAGAGTTGATAAGGT

>trans\_c\_6303 AF009003|Pelargonium x hortorum glycine-rich RNA binding protein 1 (GRP1)  
mRNA, complete cds

TTAGGGTTCCTCTTTTCTTCTCATTTCCATGGCTTCCTCTCTGTTGAGTACCGTTGCTTTGTGGGTGGCCTTGC  
TTGGGCACTGATAGTAATGCCTTAGAGAAGGCTTTCTCTCATTGTTGGTGATATCGTTGAAGCCAAGATCCCCG  
ATCATGAGAGATCTGGATTTGTTCCGAATCGGCTTTCTACATCCTTAATCTGATCTCTCAATCTGTGACTGTTTT  
GTGTTACTTTACTACTACTACTACTCTTGATATCTGTTACTTTTATTACTCTCCTTAATCGATCGTTAGCGAT  
CGTGA

>trans\_c\_6304 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CTAATTAAAGGTAAATGACTAGAGTAGAAAAACGGAATCGATCCCCCTTTGACTGTACAAGAATATGTGGA  
GCTCGGCATGAGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATATGGTCACGGCGATATACTGGGTCATT  
CATAGCATTACTATACCTTCTATTTCATTGCAGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGCTTACGATACCTTT  
GGAAGCCCTCGTCCAAATGAGTATTTTACAGAGAGCCGACAAGGAATTCATTAATAACTGGCCGTTTTGTAA  
GAAACCTTGTTGA

>trans\_c\_6305 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

GAGTTTAACCAACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGGAATCGGAGACGTTGTGATT  
GCTGCTGTTAGATCGTGCTCGTTACCCCGATAGTGGCAGTACCTCTATTATTCTCATTGAACAGGGTCCCCTAA  
AACCAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTTTCGGCCTGATCTTAGGCCCT  
GACTCACCTCCGACCGGAGATACCGCCGAAGAAGAACCCGCCTGAGAATTTGCCACCCATCGGCTGTTTG  
CAGAGAAGCTGG

>trans\_c\_6306 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

TACGAATAACACATGCAAGTCGAACGTTGTTTTCGGGGAGCTAGGCAGAAGGAACCTCTGCTCAACGCTTTGT  
CTCGCCTTTCAAGGTGGGAAGAGTTGAGAACAAAGTGGCGAACGGGTGCGTAACGCGTGGGAATCTGCGCTT  
GTCAACGGGCCAAATCCTGAAGAAAGCTAAAAAGCGCTGTTTGATGAGCCTGCGTAGTATTAGGTCGTTGGT  
CAGGTAAAGGCTGACCAAGCCAATGATGCTTAGCTGGTCTTTTCGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGAC  
ACGGCCCGGACTCCCAC

>trans\_c\_6307 GQ998368|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 ATP synthase CF0 subunit I protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

GATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTTTAAGTTCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCACTCGAAA  
CTGATCGGCTTCCATTTCAACAAAAGCATTGCTCGGGCCCCCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTA  
GTTCTTCTGAATTTGAATTGTTTCAAGATCCTCTGTTTTCGATTATCTAATAAATCACTTAATGAAAGTAGATT  
GTCTTTCATTTCATTTCAAACTTCGACGATCCCTTCCCGAACCAACATGAATCTTTCGATTGCTTGGCTCTCA  
CGCT

>trans\_c\_6308 GQ998803|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum accession no. 581-4C cytochrome c heme attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

GGGGACACCTGTTTTCCCCAAAAACCAATGCAATCTAGGTAAAGAAAGGTGGATCAGACAAAAGCGTGATAA  
ACACACACCAGCATAGTATAATCAGCGTCGATCATTTGGGGAAAGTGTCATCAGTTCCAACAGTTTGTGTTTCGT  
CAGGCCCTTCTTGAATGAATTCAATTAGATGTTAATGTAAATGAACCATAACTATGTAGCCCTATCCCTAATA  
GATTGACCCCAAAATAGCATATCCAAATTATAAGAAAACCCATAGAGGCCACAATTGCGGAATTTACACCTCCT  
GGGGCCCCCGG

>trans\_c\_6309 AB182927|Citrullus lanatus mRNA for translationally controlled tumor protein, partial cds

GGAGAATGCCCGAGGCGGGGCCAGAAAGAGTCTTAAGATACCTGCTTCCAAAGGTCAAGGACTTGCAATTC  
TTCGTTGGGGAGAGTATGGCCGATGATAGCGCAATGGTATTTGCATACTACACTGAAGGAGCTACTGACCCA  
ACATTCTTATACATCGCCCCTGTTTGAAGGAAGTCAAGTGCTGAAAGAACAAAACCTTTGGAGCAGAATGCTT  
CATGTAGCATTATTAGTTTCTACTATATTTGCCTTTTCTCATAAACATTTGGTTATTCTTCTTGGAGTGATTC  
TTCTCAGCAGT

>trans\_c\_6310 GQ998368|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 ATP synthase CF0 subunit I protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

AGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTCTTTAAGTTCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCACTCGAAA  
CTGATCGGCTTCCATTTCAACTTTTCGTAAGCGAGCCCGGGCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTA  
GTTCTTCTGAATTTGAATTGTTTCAAGATCCTCTGTTTTCGATTATCTAATAAATCACTTAATGAAAGTAGATT  
GTCTTTCATTTCATTTCAAACCTTCGACGATCCCTTCCCGAACCAACATGAATCTTTCGATTGCTTGGCTCTCA  
CGCT

>trans\_c\_6311 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

GCACCGGCTGCGAGGGCGGCACGGCTATCCCCAGAATAAACAAGAACAAGTAAAGATATCGTTGAAGATGG  
ACTTTACCCCGACTAAGAATAGATCAACTATTAAATCTTGGATGGAAATTTCTTTTACCTATATCTCTCGGTAAT  
CTATTATTAACAACATCTTTTCAACTCTTTTCATTGTAAAGGAATACCATATTCTATATTCACGACTTGCTCAAAC  
AAGAGAAAGAAACAACATAAAATTCCTTAGAGATATTATAATATGTTCCCTATGGTAACTGGGTTCATGAATT  
ATGGTCAAC

>trans\_c\_6312 AY297810|*Pyrus communis* PSII CP43 gene, partial cds; chloroplast gene for  
chloroplast product

CGGGCTAGTTGATGTCAACAGAAAACACCGGTTTCGCTTGGTGGGCCGGGAATGCCCGACTTATCAATTTAT  
CCGGTAAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGGATTAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATT  
TGAAGTGGCTCATTAGTGCTACCTTTTTCAGCTCGGCGGAAACAAAATACTTTTCTAAGGATTATATTAAATAG  
GGGCGGGGAACGAAATAAATAACTGGAAAGATTGTTATAATCTCCTCTTGCGCGAAAGCTATCTATAAAGTAA  
ATGAAGCTTGG

>trans\_c\_6313 XM\_002324011|*Populus trichocarpa* tubulin alpha-7 chain (TUA7), mRNA

TGGTGTGAATAGGCGCACGCTTAGCGTACATCAGATCGAACTTGTGGTCGATGCGAGAGAAGACCTCGGCTA  
CACTGGTGGAGTTCGAGATCTTGACACAGCTCTTTCACCCGGGCAATCGCGCCTCCAGGGACAACAGTGG  
GTGGCTGGTAGTTGATACCACACTTGAATCCAGTGGGGCACCAATCAACAACTGGATGGTGGCTTGGTCTT  
GATGGTGGCAACAGCAGCATTCACGTCCTTAGGCACAACATCTCCACGATACATCAGGCAGCATGCCATGTAC  
TTACCGTGACGGGG

>trans\_c\_6314 FJ797563|*Gossypium hirsutum* chloroplast chlorophyll A-B binding protein (CBP1)  
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CTCGCCAAGTGGTATGGTCCGGACAGGAGGATTTTCTTGCCAGATGGTTTGTGGACCGATCGGAGATCCCCG  
AGTACTTGAACGGAGAAGTCCCCGGCGACTATGGTTATGACCCCTTTGGACTCAGCAAGAAGCCAGAAGACT  
TCAGCAAATACCAAGCATTTGAATTGATTCATGCAAGATGGGCTATGCTTGGAGCTGCTGGTTTTCATCATCCCT  
GAGGCCTTCAACAAATTCGGCGCCAACCTGCGGCCCGCAGGCTGTCTGGTTCAAGACCGGAGCTCTACTGAGTC  
TACAAAACACA

>trans\_c\_6315 GQ998743|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit K protein (ndhK) gene, complete cds; chloroplast

ACAGGGATAACTGGCTTGTGGTAGATGCTATAACAAAACCTCGTAAGAAAATATCTCGAGAAATCTATGAAGA  
TCGAATTAAGTCTCAAGAGGAAAATCGGTGTTTTACTACCAATCACAAATTTTCATGTTGGCCCAAGTACTAATA  
CTGGAAATTACGATCAAGGATTACTCTATCAACCATCATCTACTTCAGAGATCATCCCTCCTGAACTTTTTTCA

AATACAAAAGTGCAGTCTCTTCTACGAGCCGACGGCGACCATTACGCGGAAAAAACATGGAGGGCCACCC  
TGTTTCCCA

>trans\_c\_6316 EF422896|Eichhornia crassipes photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II  
CP43 protein (psbC) genes, partial cds; plastid

TGACAATACTGCTCTGGGCCAACGGCGCCCGGTGCGCTGATTTACGGAAATTAAACAACCTATCCCAATTGTT  
GGGAGTGGTCACGACCAGCTAAAGCTAAAGTTCCATTAAAGAGCGTTTCCACGGGGTAGAACCTCCTCAGGG  
AATATAAGGTTTTTCATGAGGCTGATCTTGAGCCGCCATCCAAGCACGAATAGGAAGACCCGGAGAGATATTTT  
TGGTATAGAAAGTCTCAAATTCAGGATCTTCCGCTGCACGGATTTCTGAGAAACGAAGTCATAGGCACGTAG  
GTTTCAGGGCCAG

>trans\_c\_6317 U44386|Solanum lycopersicum heat shock protein (TFHS1) mRNA, complete cds

TTCTAGAGAAACAAATAACGTTTCAAGAATCTTTTCTCCGCTAGCAGCGTTTTTCATATCCAATGGCTCGCTCTTT  
CTCCAACGTTAAGATCCTCTCCGCTGTTGTTTCCGATGGATTCTCCTCCCTTCTCACCAGTCGTGTGGCGTATTA  
TTATTATTTGTCTCAAGGAGTTGCGTCGAGTGCGGTGAAAGGAGCAGGTGTTGCGGCGGCGAGGAGCAGTA  
GCTCACCAGGAGGGCTAAAATCCATCCCGACCTTTGTGGTTAAACTCTACTGCGGTGACGATACACATCCCCTC  
CAGGACT

>trans\_c\_6318 Novel Gene

CACCACCCCAACCCCGTGGGAAATCTTCTTCATTTTGGATAATGAAAGCATTCCATTACTACCAACCCAAAGA  
AATACGACCTCTCTTAGATATACGGTTTATGCCGAAAGGTACGAAGTTGGACTAATTTGGAAACATTGGGCA  
ATTTACTTTATACCTACTATTTTCGTCTGGTTTTTGCTTCTAGTCTGATTTTATTAGTAGCCATGATTGGGGCTAT  
AGTACTGACTATGCATAGGACTACCCACGGAGCGGTGAAAAGACAGGATGTATTCCGACAGGGCATCTCAGA  
TTGGCTT

>trans\_c\_6319 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

CCGGGTGCCCATTAAACGACATAGGTTTAGCCAGGGCATTATAACACGACCTAAATAAGCCTCGCTTACTGGT  
ATCTGAGCAATTCTTCCCCTTGCTTTACAGAACTTCCCTCCTGTGCCAGACCCACATCACCCATTAATACAACA  
CCAACATTATTTGATTCTAAATTTAGAGCTATGCCTATAGTACCCTCTTCAAATTCTACTAATTCACCTGCCATTA  
CTTCATCAAGACCATAAATACGAGCAATGCCGTGCGCTACTTGAAGTACAGTACCGGTATTACAATTTTACT  
TCTC

>trans\_c\_6320 X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

AGGTTCTGGTATGAAAGTTTCCATCAGACACCTTGGCCCCTCTATGATTCAGCAAATGCAGCATCCTTGTAATG  
AATGCAAAGGAACCGGTGAGACCATCAATGATAAAGATCGCTGCTCACAATGCAAGGGTGAAAAGGTTGTTC  
AGGAGAAGAAAGTTTTGGAAGTTATCGTGGAGAAGGGTATGCAAAATGCACAAAAGATTACATTCCTGGTG  
AAGCAGATGAAGCGCCTGACACTGTTGTCAAAAGCGCCACTCCCACTTCGTGGTGTTTTCTCGTGGGGTCACC  
CGTCCTGGGG

>trans\_c\_6321 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AAGAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAACGCATGCTGCTTTGCTTTTTACGGAATCGATCCCCCTT  
TTGACTGTACAAGAATATGTGGAGCTCGGCATGTCTGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATCA  
CCAGTATTCGATACTGGGTCATTCATAGCATTACTATACCTTCTCTATTTCATTGCAGGTTGGTTATTTCGTCAGCA

CGGGTTTAGCTTACGATACGGGGTTCCTAAAGATGAACCCGTCTGCGGGGCACTCTCTAATCACCTTCCGGAA  
CCGACT

>trans\_c\_6322 AY173932|Cucumis sativus ribosomal protein S14 (rpS14) gene, complete cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCCAGTGCAGCAGTGGGGGCTAGTAACTAAGCAG  
AGCTTTTAAAACAAGAAATAAGCAAAGTTCATCGTTGAGTGAGAAATGGGAAATTCATGGAAAGTTACAATC  
CCTACCGCGTAATAGTGCACCCACACGTCTTCATCGACGTTGTTTTTAACCGGAAGACCGAGAGCTAACTATC  
GAGACTTTGGGCTCTCTGGACACATACTTCGTGAAATGGTTCATGCACTGCAACGGCTCTGTAGACCCTACCTA  
AGCATAGA

>trans\_c\_6323 FR695543|Salix caprea chloroplast petG gene (partial), petG-trnP IGS, tRNA-Trp  
gene and tRNA-Pro gene (partial)

CGGTGTGACCGCATATTTACAATACAGACGGGGGGATCAGTTGGACCTTTGATTAATTAACAGTTCTTTTTTTT  
GATTGACCCCTACTTGCTTTATAGGAGGTAAAATTTGATTCTGTTGAATTATTTTCAGTATCATTTTGATTTA  
ACAACAACAAGAATCGAATCACGCTCTATAGGATTTGAACCTACGACATCGGGTTTTGGAGACCCGCGTTCTA  
CCGAAGTGAAGTAAAGAGCGTGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCAGACACTTC  
CACTTG

>trans\_c\_6324 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AGTCGGTTCCGGAAGGTGATTAGAGAGTGCCCCGCAGACGGGTTCATCTTTAGGAACCCCGTATCGTAAGCT  
AAACCCGTGCTGACGAATAACCAACCTGCAATGAATAGAGAAGGTATAGTAATGCTATGAATGACCCAGTATC  
GAATACTGGTGATAATATCAGCAAAAGAACGTTCTCCTGTGCTTCCAGACATGCCGAGCTCCACATATTCTTGT  
ACAGTCAAAAGGGGGATCGATTCCGTAAAAGATGAGATCTCATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCA  
ATCGCTCTT

>trans\_c\_6325 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AATAGCATGGCGATACATTTATACAAAACCTCCACCCCCGAGCACACGCAATGGAGCCGTAGACAGTCAAGTA  
AAATCCAATCCACGAAATAATTTGATCTATGGACAGCATCGTTGTGGTAAAGGTCGTAATGCCAGAGGAATCA  
TTACCGCAGGGCATAGAGGGGGAGGTCATAAGCGTCTATACCGTACCCGCTCGGGGATCAGGAATGAAAAA  
GACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGCATACGCCCACTCTGCGTGTGCA  
CCCTACCACT

>trans\_c\_6326 GQ998344|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 RNA polymerase beta  
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TTAGAACGTTGATACATAACTAATGGAATTCTTCGAGTATATCCATTGCCCGAAAAAATGATCTTGTGAGTATC  
GGTATAAATGATCTTTCCCCGTGTTGCGGTATAGCGGCAACCCCTGAATCTCGAGCCACTTGGCGTTCCAACC  
CAGTTCCAACAATGCACTTTTCGGACCGAGAAAGCGGGACTGCTTGACGTTGCATATTAGAACTCATTAAAGC  
ACGATTCGCATCATTATGTTGATAAAAGGAATGAGGGAAGCTCCAATAGAAAAATATTGGAAGGGAAAAAT  
ACTTCGA

>trans\_c\_6327 EF207456|Ribes americanum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GACGGGGAAGGACGCACCTCTGGTGTACCAGTTATCGTGCCACGGTAAACGCTGGGTAGCGGACATAAGAT  
AAGATAACTGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCAAGATGAGTGCTCTCTATTTGCACTTCCCCAGA  
GCCTCCGGTAGCACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAG  
AATTCAAGAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCAAGTGGAAGTGCACACGCA  
CGCATGATC

>trans\_c\_6328 Novel Gene

TGGGAAGGATCGAACCATGGGAACGAATCTACAGGGCTATCACCTTAGGTGGCCAGATCTTCCAACCTTTTCA  
CAACTCAAATTCTTTGACCCTTGACCTCGTATGAAAGGTCAAGCGGCTTGCTGGTTTTTCCATCATCCAATCCAC  
AACAAATCGAATGAAACCTGGCGAAAAAGAAAAAGAAGTTCACGTTACACTTTGCTGAGGAACTCGCTCGA  
CCCCACGGAGCGGTTCAAGAAGATCGACTTCAGTCAATGAACAAAGCCTCGTCTTTCTCCCCCAACTTTCGT  
TCTTG

>trans\_c\_6329 AJ278623|Cuscuta gronovii chloroplast tRNA-Val(GAC) gene and 16S rRNA gene

AACACCTTACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCACCACCTGTGTCCGCGTTCATCCCGTTAAGGACAGGTT  
TTCTTGTTTCATATGTCAAGGGCTCAACGGAACCTCCCGCTTTCATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGT  
GCGGGCCCCGTCAATTCCTTTGAGTTTCTTCTTGCGAACGTACTCCCCAGGCGGGATACTTTGTATACCTAT  
ACAGCACTGCACGGGTCGATACGCACAGCGCCTAGTATCCATCGTTTACGGCTAGGACTCGTCAAAACGCTCG  
GCTT

>trans\_c\_6330 AB586233|Sonchus sp. SH-2010 chloroplast gene for ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase large subunit, partial cds, isolate: T909

TACGGTACATTGTCCGTGTCCTCCTGCTCAACGGCGCTCGGCAATAATGAGCCAAGCTAGTATTTGCAGTGAA  
TCCACCTGTAAAGTAGTCATGCATTACGATAGGAACTCCCAATTCTCGGGCAAATATAGCCCTTTTCATCATTTT  
TTCGCATGTACCTGCAGTAGCATTCAAGTAATGTCCTTTGATTTACCTGTTTCAGCCTGTGATTTAAAAATAGC  
TTCCGCACAAAATAGGAAACGGTCTCTCCAACGCATAAATGGTTGGGAATTCACGTTTTTCATCATCTTTGGTAA  
AA

>trans\_c\_6331 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

AACGCTCTTTAATGGAACAAATCGAAATCGACAAGCGTGACACAGAAACCACCGGTTTCGCTTGGTGGGCCG  
GGAATGCCCCGACTTATCAATTTATCCGGTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGATTAATCGTATTC  
TGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTGCGGTTAAGAGGATTTGCACGCAGGTGGAAGCCG  
GCCCCGTCCTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACTGTAGGGGAGGTCCTGCGGACCAATAGCTCGA  
CGCCACCA

>trans\_c\_6332 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose bisphosphate  
carboxylase/oxygenase, complete cds

CGGTTAGGGTCACCATGAATGAGGACACAGTGTGCTGTGTTTCATCGCCTACAAGCCCCCAAGATTCTACACA  
TCTCCTTAAATTCCATATGCTGCGGCTTTCTTGAGGCGAATTTCAACCATTTGCCTTTTTTAAAGCTTCATCACT  
GGGTGGTTTCAACCAATTTCCCTCCTTTAATTTTTTTCTTTACTCTTTTTTCTTATTTTTCCATTTTACGTTTTG  
GTTTGTCTGTGTCCGAAACAGCGTCTTATTAGGTAAGTATCTATTAGAGATACGATCGTCTCCATGCTATC

>trans\_c\_6333 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

TATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGCGGATGGAATCCACCGAGAAGGG  
TTAGAATGGCAGTTCCTGCTCCTTCGGGGACGTTGGGCGGGCAGCCGCCTGAATCGGGGTTTTGAGCATAAA  
GATTCCACTGACCTGTAAAAAGTGGTCCTAATCCTTGGGGATGTGGCAATACATCTAAGAAATTATTCCATCGA  
ACAGATTCTCCCCTAGATGCAGGAATGGCGACATGGACTAAATGTCCTGTCCAAGCCAAGGAACTTACTCCGA  
ATAGTCC

>trans\_c\_6334 HM640737|Dipcadi filifolium voucher Chase 1783(K) 18S ribosomal RNA gene,  
partial sequence

GAGCGATTTGTCTGGTTAATTCCGTTAACGAACGAGACCTCAGCCTGATTCCAATGACGAAACACTCCCACAAT  
TGATAGGAAGTGCCGTATGACACTCCAAAAAGCAGCGAGAAGCCATCGAATTAGAATGTTGTTCCCATCCGCC  
AGTCAATTCCGCTGCCGATTCGTTTCTACACTGGAGCGATTTGGTTTAGGGGGATTTTTCTGGTCGGGAATCCT  
CATCTGGTTCATGATTTCTTACTGTGTGGTTGATTGAAACGGGTCTCTGAGGATTTAAAGTCCTCAGAAACC  
CCA

>trans\_c\_6335 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAAAAAAAAAAATGATTCTGGTGATACATTCGAGTAATTAAATGTTTTACCATTAGTAAACTGGGCCCCCAC  
TGCGGTTGAGTCAAGCTCAACAGGGTCTTCTTTCCCGCTGATTCTGCCAAGCCCGTTCCCTTGGCTGTGGTTT  
CGCTGGATAGTAGACAGGGACAGTGGGAATCTCGTTAATCCATTCATGCGATGTGTCGTAATAGCAGTGAGG  
CATTTGGCTACCTTAAGAGAGTCATAGTTACTCCCGCGTTTACCCGCGCTTGGTTGAATTTCTTCACTTTGACA  
TTC

>trans\_c\_6336 Novel Gene

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTGGGATAAACACCTCTAAGTTTTATCTTTTTATTAGGTCATTGACA  
TTTGGTAGTAGAAAATAAGAATTATACATATAATACTGCTAATCTTCAAGAACACATTACACTAAACGACTTA  
CTCGGATACAATCAGGAAGATACAAATCTCCTAAGAGGAAGTTCTTACTCCACTCTCACTCAGTTACAGGGCA  
GACCAAAATGATACAGGGGAAAATTTTCATAAGATAGAAATTGAGAAAAGTGAAAGGGATAAAACATCTAACC  
T

>trans\_c\_6337 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GGGGAACATACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTTACCTTAACCGCAAGGA  
GGGGGATGCCGAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAGTCGTAACAAGGTAGCCGTACTGGAAGGTGCGG  
CTGGATCACCTCCTTTTCAGGGAGAGCTAATGCTTGTTGGGTATTTTGGTTTGACTGCTTCACACCCACAAC  
TTTCGCTCGTACGTCTGAGTTAACTTGAGATGGAAGTCTTCTTCGTTTCTCGACGGTGAAGTAAGACTTCA  
CTCTGTCT

>trans\_c\_6338 FM946015|Chlorella ellipsoidea partial 18S rRNA gene, ITS1, 5.8S rRNA, ITS2 and  
partial 28S rRNA gene, strain SAG 2143

AGGTTGGTCCCCTGAAAGAGGCGAATCCTCAGAGACCCGTTTCAAATCAACCACACAGTGAGAAATCATGG  
AACCAGATGAGGATTCCTGACCAGAAAAATCCCCCTAAACCAAATCGCTCCAGTGTAGAAACGAATCGGCAG  
CGGAATTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCTTTTTGGAGTGTACATACGGC  
ACTTCTATCAATTGTGGGAGTGTTCGTCATTGGAATGAAATACGAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCAT  
TACTCCG

>trans\_c\_6339 X13157|Pea chloroplast psaC gene for photosystem I 8kDa subunit



CCAATTGGTCAAGGAGGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCTTGCCCCACAGATGTATTAGAAATGATACCTTGGG  
GCGGATGTAAAGCTAAGCAAATAGCTTCGGCTCCACGAACGGAAGACTGTGTTGGTTGTAAGAGATGTGAAT  
CTGCCTGTCCGACAGATTTTTTGTAGTGTTCGCGGGGCGGGCGTTACGTTTTGTTGAGCCCTACACCCAGATCA  
GGCGGTGCGATGGAGAGCCCCATAAAAAACAACCTCAGAGATTACCATTGCGGAGATTAGAGATACGATCGTCC  
TCCATGCT

>trans\_c\_6340 Novel Gene

TTTCATTAGACCTCGGCTCTCTCTAACAGTCGCGGGGTGAGGTATTCTCCGGGGGGACAGTAAAGATTAGATC  
AAATGAGAAAGGAATAATAGTAGGGTTATGTGATAGATACTATCTTGATTCTCTATTTTGAGACTTTTACTTA  
ATGTAATGAAATGCAGGACAACAAAAGAAAGACTAGGTCTTATTATTCCTACATGTTACTAACATTCTTTTGT  
ACTTCCAAGAGTTTTTCTGCCTCTTTATTTATTTGTACTGAATTTTTTCGATTATACGCTCCGCTGCGCGGCCCA

>trans\_c\_6341 XM\_002304456|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB10), mRNA

TGGCCAGCTCAACTCCGACCTCCGAAAGCTAGCTGTGAACCTCATCCCTTCCCGCGCCTCCACTTCTTCATGGT  
TGGTTTTGCACCTTGACTGCTCGTGGCTCACAGCAGTACCGTGCCTCACCATCCCTGAGCTCACCCAACAAA  
TGTGGGATGCCAAAACATGATGTGTGCCGCTGATCCTCGCCATGGTCGATACCTAACTGCCTCAGCTTTATTC  
CGTGGCAAGATGAGCACCAAGGAAGTCGATGAACAAATGATAAATGTACAGAACAAGAACTCGTCTCGCCCC  
AC

>trans\_c\_6342 NM\_116012|Arabidopsis thaliana LHCA2; chlorophyll binding (LHCA2) mRNA,  
complete cds

TGCTTAATTAATTTTTGATCTCATTTTGTACATTAAATTGATAATGATATGGTCCATCATAACATAAACACAG  
AGATTAGATCAAAGTTGTGATTCAATACATAAATTTGTGTCCCTCAACTCACAACAACATCACTACATCTCTC  
CTATTTGCTCCCAATTTCTTCACTTTGGTGTGAATGCGGCGAAGACGGTGGCGTGGCCGGGATCGGCAAGGT  
GAGCGAAAAGGTTATCAATGGGACCGGTGCCCCTGTAAATGTGTTGGAACCAAGCTCCCATCACCGCCAACA  
TA

>trans\_c\_6343 AF262997|Ricinus communis NADP-dependent malic protein mRNA, complete cds;  
nuclear gene for leucoplast product

TGGGTTGTTTCAATTTTGTAGTTTGTGATCTGGGATGGAGAGTACTTTGAAGGAGATCGGCGATGGCGGTTCT  
GTGTTGGATTGGACCCCAAAGCAACTGTTGGTGGTGGTGTGAGGATATATATGGAGAACTGACACGATGT  
GAGGAACAGCTTGCTACTCCATGGACTTTCTCAGTTGCTAGTGGCTATTCATTGTTGAGGGATCCGCATCATAA  
CAAGGGGCTGGCATTACAGAAAAGGAAAGAGATGCTCATTATTTGCGGGGGCTTTGCCACCTGCCATTGTT  
ACTCA

>trans\_c\_6344 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

CCAATTGGTCAAGGAGGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCTTGCCCCACAGATGTATTAGAAATGATACCTTGGG  
GCGGATGTAAAGATAAGCAAATAGCTTCGGCTCCACGAACGGAAGACTGTGTTGGTTGTAAGAGATGTGAAT  
CTGCCTGTCCGACAGATTTTTTGTAGTGTTCGCGTTTATTTATGGCATGAAACAACCTCGAAGCATGGGTCTAGCT  
TATTGATACGTTCTCTAAAAGCCCCCTTGAATACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAA  
CGTA

>trans\_c\_6345 XM\_002321150|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb2 (Lhcb2-1), mRNA

TTTGTCTAAGCCAATGAGCAGTTTGAGATGCATTTGCTGAGTTGAAGGTCAAGGAACTTAAGAATGGAAGGCT  
GGCAATGTTCTCCATGTTTCGGATTCTTTGTCCAGGCTATCGTCACCGGCAAGGGACCTATTGAGAATCTCTTTG  
ACCATGTTGCAGATCCTGTTGCCAACAAATGCATGGGCTTATGCAACCAACTTTGTTCCCGGAAAAATGAAGAAA  
CCTGTAGGAAACAACAATCTGTTTTACCACACTTAAGCATCTCCTGAAAATCATATGTTGATGTACGGGAGACC  
TGC

>trans\_c\_6346 GQ998230|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 2 protein (ndhB) gene, complete cds; chloroplast

AAGTAGTCCTATTGAAACCAAGAAATATAGGCCTGCCTGCCATCCACACCAGAATAAATAAAGTTTTCCGAAA  
AAACCTGCTAGTGGAGGAAGACCTCCTAAGGATAAGAGACATAGGGCTAAAGAGAGAGCCAAAAGAGGATC  
TTTTATGTATAATCCTGCATAATCTCGAATGTTATCAGTTCCGGTACGTAGACCAAATGATACAATGCAAGCAA  
CCTGGACTGATGACCACTGCAAATACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGG  
TGGGA

>trans\_c\_6347 AY757831|Acorus gramineus Psb (psaB) gene, partial cds; chloroplast

CAAAGGTGTGCGTTCGTGAGCCCATGCTAAAGTTTCAATCAATTCTTGCCAATATCCGCGCCAGGAAATTAAG  
AACATAAAGCCAGTAGCCCAAACAAGATGTCCAAATAAGAACATCCATGCCAGACTGATAAACTATTCATACC  
AAAAGGATTATATCCATTGATAAGTTGTGAAGAGTTTAACCATAGATAATCTCTTAAGGTAGGGTAGTTTATTC  
ACCTTCTAAGTGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCACCTCCAGGAAGTC  
TTT

>trans\_c\_6348 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

TCTCTTTCAATCTCTCTAGAGTCGACCTAAGACGAAGAGAGGGGTCTATCTATTTTATTTAGTTATTCAGTTA  
AACCAATGATTGTTATTGTAACAGATAGCAACAACCATTTTCATCCGGGAAAAGCCATCTTTTTCTCAACAATG  
TCTTTGTCAATTGATCCAATAGTGTCCCTTAGATAGGAACAGATTTGATAAAATACTGATAACTCTCGGATGGA  
GTATTAGAACGGAAAAATCCATTAGATAATGAACTATTGGTTCTAAGCCATCTCTGGCGATGAATCAACAAAG

>trans\_c\_6349 GQ997879|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

ACCAGCAACAAGAAAAATAAATGCAATAGCTAAATGATGATGAGCCATATCAGTCAGCCATAAACTTTGCGTT  
TGCGGATGGAATCCACCGAGAAGGGTTAGAATGGCAGTTTCCTGCTCCTTCGGGGACGTTGGGCGGGCAGCC  
GCCTGAATCGGGGTTTTGAGCATAAAGATTCCACTGACCTGTAAAAAGTGGTCCTAATCCTTGGGGATGTGGC  
AATACATGACTAAGCCTTTTCCACTTACGTCAGTTCTGAGTTGACTGTTTCGACGCCCCGGGGAAGGCCCCCAA  
GGAGCC

>trans\_c\_6350 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GGTACGTCGTTTGTGTCAGCGAGAAAATGGGAACTGCGGCTTAAGCCATTAGGTGTAGGCGCTTTCAGAGGTG  
GAAGATTCTCGTTCTTCTATTTGACCCGAAACCGATCGATCTAGCCATGAGCAGGTTGAAGAGAGCTCTAAC  
AGGCCTTGAGGACCGAACCCACACGCAATGTTTATGCCCTACTGTTGTGTAGCTGGGTGAAAGGCCAAC

CAAGATCGGATATAGCTGGTTTTCCGCGAAATCTATTTTCAGCGAGATACGCAGCACGCTACGCCCCGAGGTAGA  
GCACT

>trans\_c\_6351 GQ997488|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333  
cytochrome b6 protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

CGGGTTTGTGGGAGTGGGTCTAATGCATCTCTGCTTATTCTCATATACGGTTCTCAGAGGGGGGTCCCCTTGG  
TTCGCCTATCGTGATAAAGTGTATGATTGGTTTCAAGAACGTCTTGAAATTCAGGCGATTGCAGATGATATAA  
ATCATAAATACGTTCTCCTCATGTCAACATATTTTATTGTCTAGGAGGAATTACGCTTACTTGTTTTTTAGTAC  
AAGTAGCTACGGGGTTTGCTATGACTTTTTACTACCGTCCGACCGTTACTGAGCGCTGGTAGTCACACTGCACC  
G

>trans\_c\_6352 AJ811536|Ticodendron incognitum partial 5S rRNA gene, ITS1 and partial 5S rRNA  
gene

CTCCGAGACAGTTATATAAATAAATAAAAAATATAGAACCAAAGTCAACCTTTGTGTATTGACTGGGTCAACCC  
GAGTCGTCCTAAGTCTTCATCCGGGTCTCCGATCCGACCCGAAAACACTATGTAAATCCCCAAGAAACGTCTT  
AGCAGCATCTAAACTCGGAAAATAAGTGGGTCTAGAAATATCTGACTCAATGAATCCTCAGGGGTGCAACAC  
GAGGACTTCCCAAGTGGTCACCCAACCTTAGTACTACTCTCGCCAAGCACGCTTAAGTGCAGGAGTTCTGATGG  
GA

>trans\_c\_6353 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

GCAAGTGGACAGAAAGACCCTATGAAGCTTCACTGTTCCCTGGGATTGGCTTTTTTAAAAAGGACGCGGGCG  
GATGTAAAGATAAGCAAATAGCTTCGGCTCCACGAACGGAAGACTGTGTTGGTTGTAAGAGATGTGAATCTG  
CCTGTCCGACAGATTTTTTGAAGTTCGCGTTTATTTATGGCATGAAACAACCTCGAAGCATGGGTCTAGCTTAT  
TGATACGTTCTCTAAAAGAACTAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACG  
TAGC

>trans\_c\_6354 AC024226|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T32B03 From  
Chromosome V, complete sequence

ATACCAGCACTAATGCACCGGATCCCATCAGAACTCCGCAGTTAAGCGTGCTTGGGCGAGAGTAGATGATTCA  
ACCCACTGGTGAACCTTCAGGAGCACAACGTGGGAGGGGTGCGATCATACCAGCACTAATGCACCGGATCC  
CATCAGAACTCCGCAGTTAAGCGTGCTTGGGCGAGAGTAGTACTAAGTTGGGTGACCACTTGGGAAGTCCTC  
GTGTTGCACCCCTGGGTGCGATCATACCAGCACTAATGCACCGGATCCCATCAGAACTCCGCAGTTAAGCGTG  
CTTGT

>trans\_c\_6355 M87649|Pisum sativum serine hydroxymethyltransferase mRNA, complete cds

TATTCTGGTGTCTAGGGAAGCAGATAGGGAGAATATGGCACTGGCAATGGCCATGGCGTTACGTAGGCTTT  
CTTCTTCCGTTACAGCCCCCTTCGTACCTCCATGGCGGCTCTTCCGTTATCTGTCTCTTTGCCAACGAAGC  
TGTTTATGATAAGGAGAGACCGCGCGTTCCGTGGCCTAAACAATTGAACGATCCGCTCGAGGTAGTTGATCCA  
GAAATTGCGGACATAATCGAACTCGAAAAGGCCAGGCAATTTCTTTAAGGGAACCTCATACCATCTAGAGACT  
T

>trans\_c\_6356 NM\_128560|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT2G30050) mRNA, complete cds

CTGGAAGGAAGGAAATCAAAATCAATGGTCTCAGGCTCATGTTTTAGTGACACAAGTCTTCGGTGAACTCT  
ATTGCCTGGGCACCACATGAACTTGGCCTCTGTTTGGCCTGTGGATCATCTGATGGAAGTATATCGGTTTTAT  
TGCCAGATCTGATGGTGGCTGGGACAATAATCCAATTGAACAAGCCCACCCTGTTGGAGTAACCTCAGTTTCA  
TGGGGCCCTACGACCGCTCCTGGTTCCTTAGTTGGATCCAGTTCAGAGGACCCTGTTTGAAGCTAGCTTCCG  
G

>trans\_c\_6357 D55647|Cucurbita pepo mRNA for catalase (cat3), complete cds

GTCCCGCATGCGAGAGCAGAAGAACAGGCCGTCCCCTTTTCGAGATATGATCCTTGTCGTCATGCTGAGAAGT  
TCCCGATGCCGCCCAATGTGCTCAGCGGAAAAAGAGAAAGGTGTGTGATTCCGAAAGAGAATCATAACTTCA  
AGCAAGCTGGAGATAGATACCGATCATGGGCACCAGACAGACAAGAACGATTCTGTAGGCGTGGGTGTTCTT  
ATGGCGCGGACCCCCGTGTCACACACGAAGTTCGCAACATATGGATCTCATATTGGAGTCAGGCTGACCTTGA  
CGGT

>trans\_c\_6358 DQ768221|Fragaria x ananassa inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

CTACAGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTAATGTCCGCAGGACCTCCCCTA  
CAGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGAAG  
GCTAATCTGCAACACTAAACGACGACAATCTAGCACGAGCATATGGGGCTATCACCGTCATGGAGATAATAAG  
AGTAACCCGGGGGTCCCCTAAACCAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCC  
TT

>trans\_c\_6359 AY491653|Echinocystis lobata maturase (matK) gene, partial cds; chloroplast

GGGCAAAGTGATATGCGGGCCTGATGAGTGTGGCCAAATCATTCATGCAAATAATATCCAAATACCAAATTTT  
CCCCCTATATACCCTCCGTAAAGTAAAAGAAGCTCTTGGGAAGATCAAAGAAAGAACCTGTTCTTGCTCCGTA  
AAGAATTCTTCCAATAATTCCGAATTTAACCTTTTAAAAGAGCACGTACAGTACTTTTGTGTTTACGAGCCAA  
AGTTTTTAACACAAGAAAGGCGAAGTATATATTGGATTGATACAAATCTTTTGTAAAGAACGAGAGTTGTTG

>trans\_c\_6360 AP009366|Aethionema cordifolium chloroplast DNA, complete sequence

ATGTCGCAAATATTCACCTGTAGCATACCATATCTCAATGGACTGGCGTAATTTTTCTACTGCGTGTACGTTTCC  
ATAATGATGGTGTTTTTCCAAAATCAAACCTTTGTTGTTGAGCATCTTGGACTAGCCATCCCTTAGAAGGGATTG  
TTAAAGATCATCAATTCCTAATGAAATGGATGTAGCAGTGGCCTGCTGGAACCCAGAGTCTTTAGTTGATC  
CAGGATGTGTGATGTATATGCCATTCCGAAGTATCTATTAATCTGCTAATAAGTCGTTTAATGGCAGTTC

>trans\_c\_6361 L43359|Pterosperma cristatum large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

AATAGAAAGTCATGGAGGTAGAGCACTGATTGGACGAGGGGGCCCTACCGGGTTACCGAATTCAGTCAAAC  
CCGAATGCCAGTTACTTAAACTTGGGAGTCAGACTATGGGTGATAAGGTTCATAGTCGAAAGGGAAACAGCC  
CAGACCGCCAGCTAAGGTCCCAAAGTGTGTGTTAAGTGGAAAAGGATGTGGAGTTGCTTAGACAACAGGAT  
GTTGGCTTAGAAGCAGCCATCATTTAAAGAGTGCCTAATAGCTCACTGGTCGAGTGACTCTGCGCCGATCTAC  
TTG

>trans\_c\_6362 DQ168976|Cicuta virosa voucher Lee & Downie 2420 PsbI (psbI) gene, partial cds;  
PsbK (psbK) gene, complete cds; tRNA-Gln (trnQ) gene, complete sequence; and Rps16 (rps16) gene,  
complete cds; chloroplast

CTAGTTATAAGATCAGATAAGTTGTACATACAGTCTGAAGCTTTAAGTTGAATCCAATATTGAAATTATTCTAT  
AGCTGTGATAAATCTGGATCACTCTCATTTTCTTATTCTTACTTTTTTCTTTGAACGACCCTCTTCGAGTCCCCC  
ACAATATAGAATTGTGGGTATGAAATCCAATTTGAGTAATCAAGGACTCAACTCTTAAAAATTTTTCTATTTA  
TAGAAATAAATTCACTGCATTTCTTGGTGTCAAACCAGATTAGACCGACAGGACAGCTGTCTTGTC

>trans\_c\_6363 EF207449|Liquidambar styraciflua inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GCCGGGGAAGGACGCACCTCTGGTGTACCAGTTATCGTGCCACGGTAAACGCTGGGTAGGGGGACATAAG  
CGGATAACTGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCACCCCAAGATGAGTGCTCTCCTAATCCGACTTCCCCAG  
AGCCTCCGGTAGCACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTTGCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAAGTTTGA  
GAATTCAAGAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCTGTTCTGTACACATAC  
ATA

>trans\_c\_6364 FJ594399|Glycine max acetohydroxyacid isomeroreductase mRNA, complete cds

CACTACCCTTTGCTGACTCATCCATGGCCGCCGCACACATTCGCTCCCTCTATCTCAGCCTCTTCAACCAAAA  
CCCTAAACAAGCTGCTGCTTTGCAGCCTCTATCTCCTTCCAGCTTAGGCTTTTTATCATCTTCTCCTCAGGATT  
ATACGCTCTCAAAGCTGTTGGTATTTGTGGTGCCAATGGCGTCGGTTCAGCTCTTGGTGCTCGCATGGTCTCTG  
TTCCTGCCATCAAGCCCTTAACCTCGCTTGATTTTGATACATCTGTTTTAGAGGAAGAGGAGTTAA

>trans\_c\_6365 CP001332|Micromonas sp. RCC299 chromosome 14, complete sequence

AATTATCCCGCGGTCCGTGTTGCATTAAAGCAAGCAGGGCTGCAGAGTCGCCGCGAGAGGCCGAGCACGGA  
ACGTCGTGCGCGCTCGATATGAGCATTGTGTAACCCACGTGAACATTGCAACCGAAACACCGTCATTGTTATG  
GGACGAGCCCTTTCTGTCAAACGGGGATCGATCGCAGCATGTCCAGTCTCGACAGAGGAAAGCATGCCGAGAA  
CACGCCCCGCAACGAGGTGCAAGCATTATCCAAGCAAGCCCATCCCCACCTACCCGCACATCCCGCTCTCTATC  
CC

>trans\_c\_6366 AY205611|Glycine max cultivar Williams 82 SIRE1-9 retroelement, partial sequence

TCTATCCTTTTTCCCTTTTATCTCATGAATTATTTTGTAGTTCTATGATTAGAAATGGTCATGACTAAGTTTTTTA  
CTTTCTCAAATATGCCTGTGGTCTGTGATTTCTGTACCACAGATATTCTGTACTCATAAGGATTCGGAATCAAT  
TGTTCTCCCAATAAACATATAAAACATTGCTTCCTTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6367 DQ459385|Nicotiana tabacum serine/threonine kinase mRNA, partial cds

AGAACACAACCTAATCGAATGGGCCAGACCCCAACTTGCAAACAAAAGGAAGACTGCTCGAATAATTGACAA  
CCGTCTTGAAGGCCAATATTCTTTGGATGCAGCCTATAAGCTATCGAGTCTGACACTGCAATGCCTATCCATTG  
AGCCCAAGTCTAGACCAAGCATGAACGAGGTTGTAACAGAACTAGAACAGCTACAAGATCCGACATCCATTA  
ATATCAACAGAAATTCAAAACAAAACCGCATGGCTCGCAGACGTAGTGCTGACGATGCCAATATTCATATGC

>trans\_c\_6368 NM\_105147|Arabidopsis thaliana CP5 (CP5) mRNA, complete cds

TTCAAAGTCATCGGAAAAACCAGTTGGGAAAAACATTCCCAAAGTCTGTGGTTGGTGGGGCGATTGCTCTA  
GCTTGCACTATTGACCGTGGACTATTAACGAAGGCAGTCATATTTGGGATCGGCAGACAGTTCGCCAAGATTG  
GGAGGAGATTGTGAAGTGAATGATGCAGGTAGGCTCAAGTTTTTATTTTTCCCTGGTCACAAATGCCTATACAT  
AACAACTTCTGCTTATTTGCATTAGTTTTTTGTTTATTTTTCCGGATGGGGGGGGGGCCTATCCCCCTC

>trans\_c\_6369 AB518674|*Nicotiana tabacum* T-phyloplanin 2d mRNA for similar to T-phyloplanin, complete cds

TCGGCACAGATCAGTGAGCCATCTAGTACAATCGAGATGAAGGATTCAATTACCACCACCGTCCCTTCCAGCA  
ACGTTCCGGCAAAGCCAATCCGATCCGAAAATCCCAGTTCAAGTAGCTTAACGGAAATATATCTACATGATTC  
AACAATCCCATCATAAACAGAGCCAAAGCTTCTTAAATTTCTCCGATTACGGCTTCGAGTCAAATCCCTCAAAG  
AACACCACCGCCACCGCCACCGTAACCACCAGCACCACTCCATCATTCAAGCCGGAATCCGGCGGGATGC

>trans\_c\_6370 L49152|*Mesostigma viride* large-subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

TCATCTTCGGGGGTAGAGCACTGTTTCGGCTAGGGGGTCATCCCGACTTACCAACCCGATGCAAACCTACGAAT  
ACCGAAGAATGTTATCACGGGAGACACACGGCGGGTGCTAACGTCCGTCGTGAAGAGGGAAACAACCCAGA  
CCGCCAGCTAAGGTCCCAAAGTGTGTGTTAAGTGAAAAGGATGTGGAGTTGCTTAGACAACCAGGATGTTG  
GCTTAGAAGCAGCCATCATTTAAAGAGTGCCTAATAGCTCACTGGTCGAGTGAAGTCTGCGCCGATCTGTCCAA  
A

>trans\_c\_6371 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

TTCATTGCTCCGGCCCAGAATACGATTAATCCGGCATGGGCTACATGAGCCCCAGTAGTTTACCGGCGCCCG  
GTCGCCTGATTTACGGAAATTAACAACCTATCCCAATTGTTGGGAGTGGTCACGACCAGCTAAAGCTAAAGT  
TCCATTAAAGAGCGTTTCCACGGGGTAGAACCTCTCAGGGAATATAAGGTTTTATGAGGCTGATCTTGAGC  
CGCCATCCAAGAACCAATAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCAC

>trans\_c\_6372 GQ998726|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase  
CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

GGTGAAATTTTCATCTTCTGACTCTCGGTTAATTGAATCCCCCGCTCCTGGTATTATTTGAGACGTTCCGTATAC  
GAGCCTCTTCAAACAGGACTTATTGCTATTGATTCAATGATTCTATCGGACGTGGTCAGCGAGAATTAATTAT  
TGGGGACAGGCAGACCGGTAAACTGCAGTAGCCACGGATACGATTCTCAATCAACAAGGGCAAAATGTAAT  
ATGTGTTTATGTAGCTATTGGTCAAAAAGCATCTTCTGTGGCTCAAGTACACTGACAGGGGGTGACCCC

>trans\_c\_6373 Z70241|*Olea europaea* cox3 gene (RNA editing)

GGGTGAAGGGGGGGTTTACATACAACCGAGGCAAAGTGGTTTATGATTGAATCTCAGAGGCATTCTTATCATT  
TGGTAGATCCAAGTCCATGGCCTATTTGGGTTCACTCGGAGCTTTGGCAACCACCGTAGGAGGTGTGATGTA  
CATGCACTCATTTCAAGGGGGTGCAAGACTTCTCAGTTTGGGCTCATATTTCTCCTATATACCATGTTTCGTATG  
GTGGCGGATACCTCGTACATTGCCGAGTTGGAAGGACATCATACACCCTGATGCACGCCGAAGTCCT

>trans\_c\_6374 FN563083|*Nephroselmis pyriformis* plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 717

TTAAGTGAATAAGGGCGCACGGTGGATGCCTTGGCACTAGGAGCTGACGAAGGACGGGACTAACACCGATA  
TGCCTCGGGGAGTTGTAAGTAACTTTGATCCGGGGATTTCGAATGGGGAAACCACTGTTTCGTAATGGAG  
CAGGATCTTATGCTGAATACATAGGTATAAGAAGGCAGACCCGGGGAAGTAAACATCTAAGTACCCGGAGG  
AAGAGAAAGCAAATGCGATTTCCAAGTAGCGCGAGCGAAACGGAATCAGCCCAATAACTTTAAGCCGGG  
GG

>trans\_c\_6375 DQ455480|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BT41M21\_428 sequence

AGAGGGAGAGGGAAAAGGAAAGGGAAGAAAAGTAGTCGTTCTAGGAAGCAAGAGAACAGTGTGGAAGTTG  
TGGATTTGTGGACATTGTAACTCAATGTGCTCAAGCTGTTTCAAATTACGATCAAAGAACTGCCAATGAACTG  
CTTAATCAAATCAGGCAGCACTCTAATCCATCTGGGGATGGAAATCAAAGATTAGCTCATTACTTTGCTAAGG  
GTCTTGAGACTCGTCTTGCCGCCGTACGCCTCTATATTTGCCCTTTGCAAGTAATGAAACCTCTTCTTT

>trans\_c\_6376 EU293947|Hevea sp. Gillespie 4272 AtpF (atpF) gene, partial sequence; chloroplast

GATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTTTAAGTTCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCACTCGAAA  
CTGATCGGCTTCCATTTCAACAAAAGCATTGCTCGGGCCCCCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTA  
GTTCTTCTGAATTTGAATTGTTTCAAGATCCTCTGTTTTCGATTATCTAATAAATCACTTAACACTCCCTTTCC  
AAAAAAAATCAATACCAAGCACTACGCTTAGATTTATTAAATTTGTTGCAAAAAAGAAGA

>trans\_c\_6377 AJ236706|Humulus lupulus Hl7SL-1 gene for signal recognition particle

AGTGGCTGGAAGCGGGCTCAGCCCTACTGGTAGGGTCTCTTAGGGAAGATTCACTAGCCCGCCAGTCCAAG  
TAGGAAGTTGGGCCATTGGCTTTGGGCGAAGGCCGAGAGTCAGTTGCCCTTAAAGTGGGGGACACCGCGTG  
AGGCTGGTCTCACAGAGCAGCGTTACCCCCCGTTCTGTGCGGTGGAAGAATAACGGGCGCCAAATTTGGGC  
CCAATAATACCCGATGGGTAGGCCTCTGTCTAACAACCACCATTTTTCTCTTTGAACAACCACCAATTTGAG

>trans\_c\_6378 EU385244|Corymbium glabrum NADH dehydrogenase subunit D (ndhD) gene,  
partial cds; chloroplast

ACAGAGGTGAAATTCTTGGATTTATGAAAGACGAACAACTGCGAAAGGACCCATTTTACTGACGGGGTTTATC  
ACCACTTTAGCTACTTTAGCGGCTTGGCCAGTACTCGAGATTCCCGATTATTCATTTTCTAATGTTAGCAATG  
TATAGTGGTCAAATAGGATTATTTCTGCTCGAGACCTCTTACTCTTTTTATCATGTGGGAGTTAGAATTAATT  
CCCGTTTATCTACTTCTATCGATGTGGGGCGGAAAGAAACGGTTGTATTCAGTACCCCTGGGCG

>trans\_c\_6379 EF584899|Glycine max OAS-TL3 cysteine synthase (OAS-TL3) gene, complete cds

CTTGCTTAACAGCTATGTAAGCTCCACAGCCCTCAGTGACTTTGTTAAGATATACCAATGGAGTTTTCCAATG  
AGATGGATGATGCTCTACTCGGTGTCGACCTTGAAGGAGCTTCCGAATGAGCTCTCGGACTCTCTCTTTCTTC  
TTCTTCTTCTTCTTCTTCTCTTTCTCTGCTTAATTTTATAACCAATCAACCAATTCCATGGATGACGCTTCCAC  
TCTCGATCTCATCAGACAACATCTCCTCAACGATTTCAACTCCCAGAGGAGAAAGGAGGGGGG

>trans\_c\_6380 AY968427|Coccinia sessilifolia ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds;  
plastid

CAGAACACGCTCACGCCCAAAAAGACATTGTGAACGTAAGGAAATGATCTTTACATGGAAATGAA  
AGAATCCGGAGTAATTAATGAAGAAAATATTGCAGAATCAAAGTGGCTCTAGTCTACGGTCAGATGAATGA  
ACCGCCGGGAGCTCGTATGAGAGTTGGTTAACTGCCCTAACTATGGCGGAATATTTCCGAGATGTTAATGAA  
CAAGACGTGCTTCTATTTATCGACAATATCTTTCGTTTCGTTTCATCGCCGATCCGAAGTATCCGCGTTCA

>trans\_c\_6381 AF479219|Exbucklandia populnea 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GCACCTCTACCACCCCTGAACACTCAACAAGCCGTGACACCAACGAGTAAAATCTCCTTGCTTCAGGGCCCC  
CATAGTAACAACAAAGAGTGGGCTAAACTATTAGCAGGAGTTAGGCGCAGCGCGGGGCTGGCTCTTGCCCC

GACGGCCGGGTATAGGTCGCGCGCTTCAGCGCCATCCATTTTCGGGGCTAGTTGATAGCCGCTTGTGACCACC  
GTGTGTCTCTTAGCGGATTTGACTTCCATGACCACCGTCCTGCTGTCTTAATCGACCAACACCCTT

>trans\_c\_6382 AC004708|CIC5B11.1 check: 4870 from: 1 to: 167234, complete sequence

TGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCCGATTATATTTAGTAGACTAGAA  
TCTAACATGTGGCTTACTCCAAACATAAGCGATTATACATACGTAAACATGATATCTGAGGAAATCAATTAGAA  
GTATTTCAAATAGAAAATAGATAAGAGATCGGGCGACCCCGTTTTGAGATATTTTAAACGCGCAAGCGCGT  
TCGTGCTTGCGAGCGCTTCCGACGCGCCCTTGTCGTGGCGGCGGGGCTATCTTCCTAAACGTGAC

>trans\_c\_6383 EF207444|Daphniphyllum sp. 205-82 inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

CGCACTGTGTCCCAATGCACCTTGTTCAAAAATTTTTGCAGCGCGGGTCGGGTGAATTCAATAATAGAGGCC  
TGTTGGCATTCCAGCCTTCTTCTCTTTTCAGGGCTACCCCAAAGAGAATCCAGTGTTCCTTGGTCGTGAATAT  
CTGAATAGGACGAACCGCCCCGTGGTTTGCTTCGGAACAAAACAATTAGAATTAGGCTCGTTGAACTGGAATG  
TGTATTATCCATATAGGGGATCTTCAATGGAGAAGATCCGTCGACCTAAGACGAAGAGAGGGG

>trans\_c\_6384 XM\_002879447|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mate efflux family protein, mRNA

ATATCGAAACTCGTCATTGAACTCACCCCTTATTCACAAATCTGAAGATGGGGTGAATTCCAAAGATGAGAGT  
CAAATAAATTATGAGAATATCAGAAGGAACTGATAGCTGAGGAAGTTAAGAAGCAATTATGGCTAGCAGGG  
CCTCTAATATCGGTCAGTCTTCTCAATACTGTTTGCAGATGATTTCCATCATGTTTGTGGGTGTCCTCGGCGAA  
TTGCCTCTCTCCGGTGCTTCATGGCTGTTTCTTTTACATCGGTGACTGGTTTACCGTCTTGGT

>trans\_c\_6385 FJ467932|Carica papaya transgenic cultivar SunUp nptII pseudogene, complete  
sequence

AGATCAAATCAGATTCTAGAGCAAGATTTAATAAGTAATAGTCAACAAATTGGAATTTATTTATCAACATATTT  
TTTTCTTCATTTGAACTCATTTTCGATCATTTCTTTAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGCTCGCCAGTAA  
TAAATCTTTAGTTAGAAATAGCATAATTTAACTTTGTTGTATGTTATCACACACATTTCCCTTCAATTCTATTTG  
AAGATTTTTTGGTCTAAACTCAAAATTCTCCCCGGATCGATCGGACGAAGCGCGAGAGA

>trans\_c\_6386 J05209|Soybean (G.max) proline-rich cell wall protein (SbPRP3) gene, complete cds

AAGCCACCGGTTTACAAGCCGAAGCCACCGGTTTACAAGCCAAAACCACCTGTTTACAAGCCTCCAACACCAC  
AAAAGCCAGAGTCTCCTCCATATTATAAGCATCCATGGTATAAGATTCTCCCTCCAATTTCAAAGCTTCCACCAT  
GTCCACCAGTTCCAAAGGTTGTTGTCCCTCCAAAGTACTATTCTACCCAAAGTTCGGCAAGAAATTTCTCCCC  
AGTCTCCTTCTGTTCCACACCTTACGGCTCCTCCCAGCAATACCCCGTTTTACCGTAAA

>trans\_c\_6387 X87931|B.vulgaris mRNA for SIEP1L protein

AATGGAACGAAAAGCCGTGTCTCTGTATTACAAAAGCCCCAACTCTCCAAAACCAATGCGCTACTTCGCCGGA  
TCTTCGAATTGGTTACAATCCAGAAAGGCACTCTCGCAAGAGTCACTCTCCGAGCCGAGGTAGATCCAGGTC  
AAGGATTTGCCACCGAGTTGACATTGAACTACGAAGTTGCCGGGACGGAGAACGGGGACCAATTCTGTAC  
GGCCAAAGTACAACAGCACATTAACATTCTCCGATTAGGAATAGACGGAGTGGAATTGACAAGA

>trans\_c\_6388 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence



GTCCAAAGAACCCAGATCCCGTTGCGAGTTCAGCCTCTGGAAGATCAACTGCAGAAGAACTTAATGGAATCAA  
GCCATAAGCAGCTTCCCAAATGGTACAGATTCTCCATTCAACTCAAGGCCATGAGCACAAAGCATGGATGCA  
ATCCCTTGAGCAGTTGCTTCAATTGTTGCTTCTGCTGCTGGAACCTTCTATCTGTCTCTGGTAGGATGATATATA  
TCACCCAATGGTTCATGTTGAATTTGCGCTTCCTCAACTTGCCTCAAAGGAGGAAAAAGCAAT

>trans\_c\_6389 Novel Gene

GCGAAGCCACTCGACTGAGGTTAGGAAGGTTGAGAGCGAAGGTAAGTCTCGTAGTTTCAAATATAGGAGAGGAG  
CGAAGCCACTCGACTGAGGTTAGGAAGGAGAGGAGCCGTAGAATTATAAGAGGTCTAGATGACGGGTTAGT  
GGAATTTTCTTCGTTGCACTCCTTTTCATTGAATTTGAAGGATAAGGACTTTCGCTTTCATTCAACTCCTAACCG  
CTCCTTTGATCCTTATCAGATGAATATGGATTCAAGGTCCGTCCGTAGCCCGCAGGGCAACAGGTAT

>trans\_c\_6390 Novel Gene

CATGTTTCAGTTTCACTCAAGGCTGTCCATTTGTTCTTCATCTCATCTCATAAGTGTGTTTGGTCTAGTGTAGA  
GTATTACAGTGCATCATCTTAAATGTTGAATGGTTATAAGTTTCTAAGCATATAGAGAAAAAAAAAAAAAATT  
AGACATTAGAGTTGTATTGAAAGAGTTGTGGAATTCATCTAAGTTAAGAACTGAATGATATCATTCATTA  
GGTTATATTATTGAAATACCCCTAAATTAGATCGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>trans\_c\_6391 AF030382|Cucumis melo ADP-glucose pyrophosphorylase small subunit (msf1)  
mRNA, complete cds

GGATCACAAGAAGCCAGTACCAGATTTTAGCTTCTATGATCGTTCGTCTCCGATCTACACCCAACCTCGTTAT  
CTGCCGCCATCAAAAATGCTTGATGCCGATATCACGGACAGTGTTATTGGTGAGGGATGTGTCTTAAGA  
GCAAGATTCACCACTCTGTCGTTGGCATTGCAACTTGCATATCCGAAGGTGCAATCATAGAAGATGCGNTNCT  
NATGGGTGCAGANTATTATGAGACGGATGCGGNCCGTAGGTTATTGGCGGCAAAGGGAAGTGT

>trans\_c\_6392 FJ899666|Jatropha curcas auxin-repressed protein-like protein ARP1 mRNA,  
complete cds

TCTTGATTAATGAAAACATCCTTGGCAAATGCTTTCGCAGTTGTTTCGTCTTTCATAAATCCAAGAAGGGGTGGG  
TGTCCTCCGGACTAGCTGGCATAGACATGGATCTTTGGTATTTGCTTCCATCTCCTTCCAAATCTTTAACGATCAA  
GGGCTTAGTACTGACTTTTCTGAGCTTGCCGAGGCCACGGACAGGCTGAGGTCCAGCCACAACATCATCCCAA  
AGTTTCTCAAGCAGAACCATTGTTTTTCAACTTCTCACTCCAAGTTCCAACCTTCGTTT

>trans\_c\_6393 GQ997935|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 ATP synthase CF0  
subunit I protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

GGCGCTGGCGGACGCTTTTCTCGTTCTATCTCAGAATATCCATTCACTCGAAACTGATCGGCTTCCATTTCAACT  
TTTCGTAAGGCTCGGGCCCCCTTTTCCAGCTGTTCAATGGCCCCCTCACGTAGTTCTTCTGAATTTGAATTGTT  
TTCAAGATCCTCTGTTTTCGATTATCTAATAAATCACTAACACTCTTAGATTGTCTTCCATTCATTTCAAACT  
TCGACGATCCCTTCCCGAACCAACATGAATCTTTCGATTTGCTTGGCTCTCACGCT

>trans\_c\_6394 NM\_104176|Arabidopsis thaliana GTP-binding family protein (AT1G52980) mRNA,  
complete cds

TCCTCCATGACTGGCAGAGGGGCAAACTTCCCTTTTTTGTCCACCACCTCGAGTGGAAGACGAGTCAGAAGA  
ACCAACTATGGTGTTGATGATGACTCAGGTGTGGACAGCAATCAAGCTGCAGCCGCTTCAAAGCCATTGCA

AATGTTATATCATCTCAACAGCAAAGAAGTGTGCCTGTTCAAAGGGATCTGTTTAGTGAAAATGAATTGAATG  
GCGAGACATCCGACCAGACTCTAGTCTCCGAGGATGAATTACAAGCTCCTCTTTCTGACACTCT

>trans\_c\_6395 AF479108|Cucurbita pepo 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GCCGGGGCTAGAAGCGACGCATGTGCTTATCGCTCGATTGCCGACCAGCAGTAGGGGCGCTTTCGGCCCCATT  
CCGTGCACAGCAACCGATTCCGGGAGCACTGCCTACGACTGCGGGGGCCGCTTGTAACTAATCCCACCGA  
GCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGCAGTGGTCATCCCTGAGGAGGT  
TCTACCCCGTGGAACGCTCTTTAATGGAACCTTAGCTTTAGCTGGTCGTGACCACTCCCACACC

>trans\_c\_6396 XM\_002892543|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata P-glycoprotein 10 (PGP10), mRNA

ACTTCATCAGCGCTCTTCCTGAAGGCTACTCAACAAAAGTTGGTGAAAGAGGGATACAACCTCTCTGGTGGGCA  
ACGACAAAAGGATCGCCATTGCAAGAGCAGTCCTGAAGAACCCTGAAATACTATTACTCGACGAAGCAACAAG  
TGCTCTGGATGTGCAATCGGAACGTGTGGTTCAACAAGCCTTAGACAGATTGATGATGAACAGAACAACCTGT  
GGTGGTTGCACATAGGCTTTCCACCATTAATAAACTGTGATCAAATCTCAGTGATTCAAGATGGTAA

>trans\_c\_6397 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

TTGTATGCGGGTCGCAGATAGTGGCTATATCAACGGTACTAGAACTGTTAGATAATTATAGTCGGTAATAACA  
TCACTGTTCTCATCGCTATTACAGAACCGTACATGAGATTTTACCTCATAACGGCTCCTCGTTCAATTCTTTGGA  
AGTCATTGGATCCTTTTCTCGTTGAGAATCTCCTCCCTTCTCCATTCCGTCCCGAAGAGTGACCGGGACCAA  
TTCAGTCACGTTTTATTCAATTTGGAATCTGGGCTCTTCTACGTCATTTTTATTTACTTA

>trans\_c\_6398 XM\_003082221|Ostreococcus tauri polyubiquitin (ISS) (Ot12g01240) mRNA,  
complete cds

AAGTGAATGTTATAATCAGCAAGGGTCCTTCCATCTTCAAGCTGTTTCCCGGCAAAGATCAACCTCTGCTGGTC  
TGGTGGAATCCCTCCTTGTCTTGGATCTTAGCCTTGACGTTGTCGATGGTGTGAGAGCTCTCAACCTCTAGGG  
TGATGGTCTTTCCGGTCAACGTCTTGACGAAAATCTGCATACCACCACGGAGACGCAACACAAGGTGGAGGG  
TGGACTCCTTCTGGATGTTGTAATCTGCAAGAGTTCGGCCATCTTCCAACCTGTTTCCAGCGA

>trans\_c\_6399 NM\_124046|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein  
(AT5G46760) mRNA, complete cds

AGGTAGAAAACCAGCAAACGGAAGAGAAGAGCCATTGAATCACGTAGAAGCAGAGAGACAACGGCGAGAG  
AAATTAAACCAGAAATTCTACGCTCTACGAGCTGTAGTTCCAAACGTATCTAAAATGGACAAAGCCTCACTACT  
CGGTGACGCCGTTTCGTACATAAACGAGCTGAAATCGAAGCTCCAAATGGCAGAATCGGAGAAAACAGATAT  
GGGAAAACATCTAGAATTGCTGACTCCTTCTCGTTTCTTCCCTCGTGCTCTGTGATGTTGTGTCTG

>trans\_c\_6400 EU002399|Coriaria nepalensis photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB)  
gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes,  
complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

CAAAAACCTTGAGATCCAACCTACAAAAAGAGTCTAGTCTGATACAAGATTGCTCTGTTCTTTTTTCTTTATTT  
TTTGATTTGACATAGATAGGGTACCGGATAAATCTTTATTCGGATTGCTTACTTTTCATTTCTTTGACTCTTGTCT  
TGGTCTGGGGGGGCGAATTAAAAAGATCCCAATTAAACAGGTATGGAAGCTATAATTGTAAACCGAAATCAA  
ATCTATGGAAGCATTGGTTTATACATTCCTCTTAGTCTCGACTCTAGGAATAATTTTTTT

>trans\_c\_6401 CT029861|Poplar cDNA sequences

GTTTAATTAACAAAGCATTGCGATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTAATTATAAGATACCTTTTATAA  
CAATCAATAAATAACAGGTAAACTATTAATATAACAATGAAAATATTAAGTCGAGGTATCCATTCTATGACAA  
CTCTCACCACCTTACCCTCTATTTTTGTGCCTTTAGTGGGCCTAGTATTCCGGCAATTGCAATGGCTTCTTTATT  
TCTTTATGTTCAAAAAACCCCTCGGGGGGCGCGGGCAGGCGGAATGTCCCATTCCG

>trans\_c\_6402 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

AGAATGCATTGGATGGATGCCCGGGCATTGAGAAGGAAGGACGCTTTCAGAGGCGAAAGGCCATGGGGAG  
ATCTCGTCTGTGATCCATGGATCTCCGATCGGGAAACCGTATCCAAGCTCCGTGGCTAGTCTGCGCTCTTTGGA  
CTTTTCAAACCTAGCGAACTGAAACATCTTAGTAGCTAAAGGAAGGGAAATCAACCGAGACCCCCAAAGTAGC  
GGCGAGCGAGAGCGGATTGGGGGTTTTTCAGAAAAAGGGTCCGCGTCCACCTATGTATAATTATCC

>trans\_c\_6403 AY973620|Manihot esculenta auxin-repressed protein-like protein ARP1 mRNA,  
complete cds

TGATTAATGAAAACATCCTTGGCAAATGCTTTACGCACATACACATGTGTAGGTGTGACCGGAGTGGTGGGTG  
TCCCCGGACTAGCTGGCATAGACATGGATCTTTGGTATTTGCTTCCATCTCCTTCCAAATCTTTAACGATCAAG  
GGCTTAGTACTGACTTTTTCTGAGCTTGCCGAGGGCCACGGACAGGCTGAGGTCCAGCCACAACATCATCCCCAA  
GTTTCTCAAGCAGAACCATTGTTTTTCAACTTCTTCACTTCCAAGTCCAACCTTCGTTTAG

>trans\_c\_6404 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA  
(rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence;  
chloroplast

GGAGTTGTGCAACTGGCGATGTAAACATTGTTTTGCGTGGGTAGCCAACATAAGAGCGGATAACTGCTGAAA  
GCATCTAAGTAGTAAGCCCACCCCAAGATGAGTGCTCTCCTATTCCGACTTCCCAGAGCCTCCGGTAGCACA  
GCCGAGACAGCGATGGGTCTCTGCCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAAGG  
TCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCCTGTTCTGTACACATACATACGTCG

>trans\_c\_6405 U79733|Beta procumbens nematode resistance (Hs1pro-1) mRNA, complete cds

GATAGTCCGAGAGAGTCCCTAGAAGTCGAGAGGGTAGAAGCTTCCAGATCCGTTCCATCATATAACAATCACT  
CGCAGCTCCCGCAAATTCTTCTCTCGATTCTCTTCAATTCGTTTCAGAAAGTTCATGCGCGGAGTAAATCCA  
CGACTCCAGGATCTGGTGCCTGTGTAAACCGTTTGATTCTCGTAATTTTCGATTTGTTCTGACAGACTCTTCCT  
CAGAGAATGAAGCTCGTTTGGCTTACAAATTAGGTCGTAATCAAGATTCGGTTTCCCAG

>trans\_c\_6406 EF207456|Ribes americanum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AATTAGTTATCCTAGCCAGCCAACTCAGAACCGCTAATAAAAAAGATTTGTCTAAGTCACTTCGTTTCTTTTGT  
CCAAGTTACTTGTTTTTTGTCCAAGTTTCTTCTTTTTGTCTAACTCACTTCCTTTTTCTTTGTGAGTTTCGGG  
AATATCCCCCTTCATAGGTCCGAGATCCACATCTATGAATTGAAAGGTCCGAATGATCAACTCTGCAATCAGTT  
GTTAGAATCAATAGGTCTTCAAATCGTTCATTTGATTTTAACTTGTTTCCTCCCG

>trans\_c\_6407 XM\_002324255|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

TGAGGAAGGATGGACCAACTACTTGAAGGACAAGATTAAGCCTTCTTTTGTCAAAGAGCGGCGAGCAATGAA  
GAGAGAGTATGAAGAATTCAAGATTCGAATTAATGCACTTGTTGCCAAAGCACAAAAGATGCCTGAGGAAGG

ATGGACCATGCAGGATGGAACGCCATGGCCTGGAAACAATCCCAGGGATCATCCTGGAATGATACAGGTTTT  
CTTAGGTCACAGTGGAGGTCTTGATACTGATGGAAATGAACTGCCGCGTGAACCTTATGTTTCAG

>trans\_c\_6408 GU478980|Bruguiera gymnorhiza isolate 3496 peroxidase mRNA, complete cds

TCACACTCACACAAGATGGTTGTGATCAGATCTTCGACAAAGCAACCACTCCAGGGGTGTCAATACCCATGGC  
AGCAAATCTTTCAAGGACAACAGACATGCTTTCATTGTGGTCTGGAAGATAGTTTTCCAAAATATCAGCTCTGC  
TTTTCTTCCATCTCTTCTGCCTGTTCTAAGTGGGATGTAAGGCCCCCAAGAGAAACAATGCCATCTCTGGCT  
GACAGAACAAGGATATCTGCACAGGAGACAACCTCCAGGGCATTCTCTTCCACCGCCTCT

>trans\_c\_6409 NM\_001036799|Arabidopsis thaliana AAC2 (ADP/ATP carrier 2); ATP:ADP  
antiporter/ binding (AAC2) mRNA, complete cds

ACGCGACATTGTAGCCGCGGCAGACTCCTCCAGTTTCCCTCGCGGCCATCAGTTTTCTCCTAAGGGAAGAAG  
TAGCCATGGCTGATCAGGTTCAACATCCGACTCTCTATCAGAAGGTTTCTGGTCAGCTCTCCCTTCAGTCGAGG  
GTTGCTTTGGGCTTCCGGGCTTGTGATGATGGCTTTAGGAATCCTGCACTCTATCAGAGACGTGCCCCAATCAC  
CAATTATTCTAATGCTGCTTTTCAGTACCCTGCTGTGCAATCCTGTGCAGCTACAACCTGA

>trans\_c\_6410 GQ997939|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 envelope  
membrane protein (cemA) gene, complete cds; chloroplast

TAGAGGGAACCTTTCTCTTGACGAAATGCTAAAGGAATACCCAGAAACACATCTACAAAAGCTTCGTATCG  
GAATCTACAAAGAAACGATCCAATTGATCAAGATGCACAATGAGGATCGTATCCATATGATTTTGACTTCTCG  
ACAAATATAATCTGTTTCGTTATTCTAAGTGGTTATTCTATTCTTGGAATGAAGAACTTGTTATTCTTAACCTCT  
GGGTTCAAGAGTTCCTATATAACTTAAGCGACACAGCCCCCTTAGGAAAGCTTGGGGG

>trans\_c\_6411 X87931|B.vulgaris mRNA for SIEP1L protein

GGCTGTTACATACAACGACCAAGTCGACTGGAGCCCGTCGGAGATTACGTTACGTTGTTTCGATAGGGAATT  
TAATACAGGGAACACGGAGAGCGAATGCCAGTGGCCGGAGCGGTGCGGGCAGTTCGGGTTGTGTGAGGAG  
AACCAATGTGTGGCCTGCCAACGGAGAAGGGGCTGTTGGGATGGAGCAAGACATGTATGGCGAAGAAGGT  
AAGTTCATGTGACCCCAAAAGCTTCATTATTACAACTTGAAGGTGTGGATCATTTTTTGTGGT

>trans\_c\_6412 Y11607|M.sativa mRNA for protein phosphatase 2C

CTTATCAAGAAAGGCAACCTTGTTATTTCCAACGCCGGTGATTGTCGTGCCGTTCTCAGCAGCCAAGGTGTTGC  
CGAGGCCATCACTTCCGACCACCGCCCATCCCGGAAGACGAAAGGCACAGGATCGAGTCCACGGGTGGATA  
TGTTGATTTGTGAATGGAATTTGGAGAGTCCAGGGATCTCTGGCTGTAACAAGAGGAATTGGGGATGCTCA  
CCTCAACAATGGGTGATAGCCGAACCGGAGACAAGGGCACGGATGCGATCTAGATTGTAG

>trans\_c\_6413 NM\_116702|Arabidopsis thaliana ATPC1; enzyme regulator (ATPC1) mRNA,  
complete cds

TGAAGAACACCCAGAAGATCACTGAAGCTATGAAGCTTGTTGCTGCTGCCAAAGTCCGTAGAGCTCAAGAAG  
CTGTTGTTAATGGAAGACCATCTCTGAAGCCTTAGTTGAAGTCCTTTACAACATCAATGAGCAACTTCAAACA  
GAAGATGTTGATGTTCTTTAACCAAAGTAAGACCTGTTAAGAAAGTTGCATTAGTTGTTGCTACTGGTGATA  
GAGGTCTTTGGGGTTGTTTCAACAATACCATCATTAAGAAAGCTGAAGCTAGAATATCAG

>trans\_c\_6414 AF479108|Cucurbita pepo 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TCGTGTTGTCAAAGAGTTGAACAATGAAAATAGATGGCGAGTGCCTAATCGAATTGATGTCAACAGGCAAAT  
ACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTACAAGGCGGC  
CCCCGCGACTCATCCGTCACGAGGGCTTACGGTTGCTGTGCACGGAAATGGGGCCGAAAGGCCCTACTGCT  
GGTCGGCAATCGAGCGATAAGCACATGCGTCGCTTCTAGCCCGGATTCTGACTTAGAGGCGT

>trans\_c\_6415 AM745940|*Leptopus clarkei* partial 17S rRNA gene, ITS1, 5.8S rRNA gene, ITS2 and  
26S rRNA gene, specimen voucher Van Du et al. 833

CGGTTAGGGTCACCATGAATGAGGACACAGTGCATACACCCTCATCGCCTACAAGCCCCAAGATTCTACACA  
TCTCCTTAAATTCATATGCTGCGGCTTTCTTGAGGCGAATTTCAACCATTTGCCTTTTTTAAAGCTTCATCACTT  
GGGTGGTTTCAACCAAATTTCCCTCCTTTAATTTTTTTTCTTTACTCTTTTTTCTTATCTCGACGCGACCCAGGT  
CAGGCGGGACTACCCGCTGAGTTTAAGCATATCATATTCGCGAGGAAAAGAAA

>trans\_c\_6416 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

CTACCCAATACATGTATAGGGTGTACTCAATGTGTCCGAGCTTGCCCCACAGATGTATTAGAAATGATACCTTG  
GGGCGGATGTAAAGCTAAGCAAATAGCTTCGGCTCCACGAACGGAAGACTGTGTTGGTTGTAAGAGATGTGA  
ATCTGCCTGTCCGACAGATTTTTTGAGTGTTTCGCGTTTATTTATGGCATGAAACAACCTCGAAGCATGGGTCTAG  
CTTATTGATACGTTCTCTAAAAGCCCCACAACCTCAGAGATTACCATTTCGCGAGATTA

>trans\_c\_6417 Novel Gene

GACTCTTGCTCACAGTCTCTTACTCGTGAAGAAGAAGATCGACTGTGAATATGGATATAAACAAGGACTGAGG  
GCCTCCCGTAGAAGGAGTCATGAAATGGAATATGAACCCGTCCTCCAGACCTCTTTGATCCTAACGGAGGTCT  
CGACTGAAAGGAGAGTGAGGAGTGCAGAGAGAAAGAAGCGAAGCGAATACTCGTGCAAGTGCTGGAGCCGA  
GCAATATGATATTTGGGCTTAAAGGAAGTGAAAGGAAGATAGGCTTTCTGCTGGCAGCTTCA

>trans\_c\_6418 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

GTTGAGTAAGAGCCCCGCCCTCGAGTGCAAAGGCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAGACCCACCCGTCGAGCA  
GGGACGAAGACTAATCCGACAGCTTAGTAACATTTCTGTTCTTTAATGCGCTCAACGGATAAAAGTTACTCT  
AGGGATAACAGGCTGATCTTCCCCAGAGATCTGTGCTCATGTGAGTAGACCTTGTTGTTGCGAGAATTCTTA  
ATTCATGAGTTGTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTTGG

>trans\_c\_6419 XM\_002330091|*Populus trichocarpa* light-harvesting complex I protein Lhca4  
(Lhca4), mRNA

CCGCCACCCGCGATGCTGGGTGTCGCAGGAATGCTTCTACCGGAAGTTTTACGAAGATTGGAATCATCAACG  
CCCCTCAATGGTACGACGCCGTCCCTTACTCACGTCCTATTCTACTGTCAACTCTGTTGTAATCGAGTTTATCC  
TCTTCCATTACGTCGAAATCCGAAGATGGCAAGACATTAACCAAGACCCCATTTTC  
AAGCAATACAGTTTGCCACCAAATGAATGTGGTTACCCTGTGTTGATTTGACCGT

>trans\_c\_6420 NM\_179487|*Arabidopsis thaliana* LOS1; copper ion binding / translation elongation  
factor/ translation factor, nucleic acid binding (LOS1) mRNA, complete cds

TTTTCTTTTCTAGTTTCTCTAGAGAGGCTACCTTGCACTGAACGGCGACACGCACGACAGGAGATACAGAAA  
ACTTCATGGCTCGAATTGGATGAGCATCAACTTCCTTTTCATTTCGTCAAAGTGGCATTCTTAGTGATAAATTGAT

CCAACCCAACCATGGCAACAGTGTTACCACAAGGCACATCCTCCACTGTTTCTTGCTCTTTCCCATCCAAATGA  
CAGTTCTCTGGACGCTCTTAACATACAAATCTTTTTTCTCACCAGGAATATAGT

>trans\_c\_6421 EU016788|Anethum graveolens photosystem I assembly protein ycf3 (ycf3) gene,  
partial cds; chloroplast

TAAGAAGGTTTCAGGGTGTATGTTCTCCGTTCTTGTGTGGATAAGACCTATGTTATAGAGTATATAACTTCGA  
TCATAGGGATCGATTTCTAGTCGCATAGCTTCATAATAATTCTGTAGAGCTCCGCATAATTCCTTCGGATTGA  
GCCGACATCCCATCTCTGTAATAGGTGGGCATTCGAAAATCCCCGGAAGTTGTCGGAATTATTCGTAATAAGA  
TATTGGCTACAATTGAAAAGGTCTTATCGATAAAATTTCCATTTATCCCACCAGA

>trans\_c\_6422 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

CAACTAATCTCTTCAATCTTCAGTTCAATTCGACTCCATGTTAGAACATTTCTGTTTCATGCTCTTTTTCTTTAAGT  
GGTCTTATTCTGTGTCCCGTGTAGGAAGCATTATTCTTTTCATTCCAAATTCAAGAATACGACTGATACGA  
TTGATTGGTCTATGTGCCTCTCTTATTACTTTTTGTATTCCCTTGTTCTTTGGATACAATTCGATCCTTCTACGG  
CCAAATTTCTATAACACCTTTCAAGAGGATCCCTTCCCCGAAACCTGGCT

>trans\_c\_6423 NM\_001187551|Oryza sativa Japonica Group Os05g0504766 (Os05g0504766)  
mRNA, complete cds

AATGCAGATCTTCGTTAAGACCTTGACTGGAAAGACCATCACTTTGGAGGTGGAGAGTTCTGATACAATCGAC  
AACGTGAAAGCAAAGATCCAAGACAAGGAGGGAATTCCACCAGACCAGCAGAGGTTGATCTTCGCTGGAAA  
GCAGCTTGAAGATGGAAGGACTCTGGCTGACTACAACATCCAGAAGGAGTCAACCTTGCATTGGTGCTTCGT  
CTCCGGGGTGGAATGCAGATTTTTGTAAAGTGGAAGTGGCCTTTCTGGTAGTGGAACCTC

>trans\_c\_6424 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

AGGCCCATCTTATTTATTAAGACAATAAACCCGTTGTTACGCTTCCACATCAAAGTTAGCTATAGTACTTAATTC  
TTTTTCTTTGCTTTAATGCCTATTGGTGTTCCAAAAGTACCTTTTCGAAGTCCCGGAGAGGAAGACGCATCGT  
GGGTTGACATATAACAACCACTTGTCAGATATATTGGGTCATATGGTATTTCCCCGTTCTCTCCCCGATCGAGA  
TATCCTCTCTTTCGCCCAAGACGGATTGATTTAATCATCGGGGATTGAGGCCT

>trans\_c\_6425 AF126871|Vigna radiata NADPH-protochlorophyllide oxidoreductase mRNA,  
chloroplast gene encoding chloroplast protein, complete cds

TCTGTGGGGGTCCCCGTTACAGATTTGTTCAAATCCTCTAACAACAAACGGGAAAGGAGGAAATGACCAAGA  
TGTTAGTTCCAACACTAAGTTCAAAACCTTCAGCAGTGAAAGTAGGCTCTTAGCAGTTGGTAGGTAAACAG  
CAGCATTGCACACCAACACATCAAGCGGCCTGCCAGACTGCCTGAAGTTGTCAACAACTGGCGAACGCTGTC  
GAGCGAGGCAAGGTCCAAATGCATAACAGTGTAGTTTTCTTGGCAATGCCCGCAGATT

>trans\_c\_6426 EU749523|Cornus sericea voucher OAC:JAG343 AtpF (atpF) and AtpH (atpH) genes,  
partial cds; chloroplast

AGGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTGCGGCCCTGCGAGAGAGGGTCTTTTCTTGCTGCTCT  
TGCTTTTTTTGAATTATACGAAGCTTTCACTCCTACAATTACTTATTCGTTGGGACAATAACCTATGGGAACCTAA  
CCGGGTCTTATGAGGCATTAGCATACTGACTCGCCTTCTCCTTCCCTTTCTTAGTCCAATCTCGAATGGAACCT  
TTTTTTTAGGATTCTTACAACATATTTTTTATTCCATAATATGTCGTCGGAGAA

>trans\_c\_6427 EU308519|Heliosperma alpestre ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; acetyl-CoA carboxylase beta subunit (accD), PSI reaction centre subunit VIII (psal), ycf4 protein (ycf4), potential heme-binding protein (cemA), cytochrome f (petA), PSII reaction centre subunit X (psbJ), PSII reaction centre subunit XII (psbL), PSII reaction centre subunit VI (psbF), PSII reaction centre subunit V (psbE), cyt b6/f complex subunit VI (petL), and cyt b6/f complex subunit V (petG) genes, complete cds; tRNA-Trp (trnW) and tRNA-Pro (trnP) genes, complete sequence; PSI reaction centre subunit IX (psaJ), ribosomal protein L33 (rpl33), ribosomal protein S18 (rps18), and ribosomal protein L20 (rpl20) genes, complete cds; ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds; ATP-dependent protease proteolytic subunit (clpP) gene, complete cds; PSII 47kDa protein (psbB) gene, partial cds; and PSII T protein (psbT) and PSII 10kDa phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

TATCTATGACTGTTTCTGTCTCTCTACATCACCACTTGATGAAATGGGGAGGGAAGTGGGACAAATGGCCGAG  
ACTACTGGAAGGATTCCTCTTTGGATAATCGGTAAGTGAAGTATTCTTGTGATCGGTTTAGTTGGTATTTTC  
TTTTATGGTTCATATCCGGCTTAGGTTCTCTGTAATAATCGGATGAAGTGAACCCCATCGGGGAGTGAAA  
TAGAACATGAAACCGTAAGCTTCCAAGCAGTGGGAGGAGACCAGGACTCTGACC

>trans\_c\_6428 DQ997698|Populus trichocarpa CBL-interacting protein kinase 8 (CIPK8) mRNA, complete cds

GGGGACGAAGAGCGAACCTCCGACGGTAATTGGTGCTCTTTGAAGAAACACTAGAAAAGAGAGTTTAGTTGG  
CTTTGAGATTCGACTTGAGAGAAGGCTCTCTCTTAGGGAATGCAGAGAGATGAGAGGAGATTTGTTTACAAG  
TTTCTTCTCTAGTGGGCGAGCTGGCAACTCCATTGGCGGCCGGAAGTGTATCGGAAACACGTTGAAGACGG  
GTGATTCGTTTCTCCTTCCTTTTCTTCTCTTCAACTTTCTCTTAATCTCTAATTAAGT

>trans\_c\_6429 U14956|Vicia faba ferredoxin NADP+ reductase precursor (fnr) mRNA, complete cds

ACACCAATGAACAAGGAGAGATTGTTAAAGGAGTTTGCTCTAACTTTTTATGTGACCTAAACCTGGAGCAGA  
GGTGAAGATAACAGGACCTGTGGGAAAAGAAATGCTTATGCCTAAAGATCCTAATGCTACAGTTATTATGCTT  
GCAACTGGAAGTGAATTGCTCCATTGAGATCTTTCTTATGGAAAATGTTCTTCGAAAAGCATGAAGACTACAA  
GTTTAATGGTTTGGCATGGCTGTTCTTGGGTGTTTTGTGTTTCATCGAGTGAAGGGG

>trans\_c\_6430 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

GGCGTAAAGGGGCACGTAGGCGGTGAATCGGGTTGAAAGTTCAAGTCGCCAAAAACTGGTGGAAATGCTCTC  
GAAACCCATTCACTTGAGTGAGACAGAGAGAGTGGAAATTCGTGTGTAGGGGTGAAATCCGAGAGCTCGTA  
AAGGAAGGCCAAAAGCGAAGGCAGCTCTCTGGGTCCCTACCGACGCTGGGGTGCAGAAAGCATGGGGAGCGA  
ACGGGATTAGATACCCTGGTAGTCCATGCCGTAAACAGCAGCCTCTTACACACAGACGAGA

>trans\_c\_6431 AF302113|Solanum tuberosum plastid glutamine synthetase GS2 (gln) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

AGAGGCGTAGAACAGCCATATACCTCACTGCAGGTTTATTAGTAGATCTTCCATTCTATTGATTGTGCCACCTA  
CAGATTTAACAGACAAGACTCTGATTTTGAAGAGCTTTTACTGCTCCTTTCTTGTCTGCTTCAGAAGAATGG  
AACTCCACATCCTAGGAGTAATGGGGCTTGAAGTCAAGTCAGTTAGTTCTCAGTTGCCATTGAGTGGAT  
GGAGCTAAAATCTGAGCCATTGTTTTGCCTCTACTGAAAGAACAACCTAGT

>trans\_c\_6432 Z14078|T.aestivum mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

AGTGGAATTCGTGTGTAGGGGTGAAATCCGGAGATCTACGAAGTCCTCCCCAAAAGCGAAGGCAGCTCTCT  
GGGTCCCTACCGACGCTGGGGTGCGAAAGCATGGGGAGCGAACGGGATTAGATACCCTGGTAGTCCATGCC  
GTAAACGATGAGTGTTCCGCCCTTGGTCTAGGCGGATCAGGGGCCAGCTAACGGAGGAAAATCCCTCCTGAT  
CCACTACGCCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTCACTTACGAATGTA

>trans\_c\_6433 AM404079|Plantago major mRNA for acireductone dioxygenase (ard1 gene)

AAGACCAGAGGCTTCCTCATCACCTGAACCAAAGCAATATGTATCCTTACAGCAACTTGACGAACTTGGAGTT  
CTGAGCTGGAGGCTAGATGCTGACATATATGAAACAGATGAGGAATTGAAGAAGATACGCCATGATCGTAAT  
TACTCTACATGGACTTCTGTGAGGTCTGCCCAGAAAAGCTTCTTAATTATGAAGAGAAGATTAAAACTTTTA  
CGAGGAACACCTTCACACTGATGAGGAGATCCGTTATTGTGTGGCTGGAAGTGGT

>trans\_c\_6434 EU002399|Coriaria nepalensis photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB)  
gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes,  
complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

CCCAAGTCGATTGGCGGACCGGCTCATCACCGTTCCACATCCGACTGGCGCAACCAATGCTTCCATAGATTG  
ATTCGGTTTACAATTATAGCTTCCATACCTGTTTAATTGGGAGAGGGGCATTGCCCCCCCAGACCAAGACAA  
GAGTCAAAGAAATGAAAAGTAAGCAATCCGAATAAAGATTTATCCGGTACCCTTCGCAGTTGTTCTGCTTTTCAT  
AAATCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCT

>trans\_c\_6435 AF479115|Afrostyrax sp. Cheek 5007 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GAGATTTTTTCCAGGGTGGGCAGGCTGTTAAACAGAAAAGATAACTCTTCCCGAGGCCCCCGCCGACGTCTCC  
GGAATCCCTTACGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTCGAAGTTCGC  
GCTGTGCGCGGCAGATCAAAACCCTTTTGTCTCTTAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATG  
GAACCTTTCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGCTACTACC

>trans\_c\_6436 AY189044|Azorella macquariensis 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGATGCTCGGGGTAGCCACCCACATA  
TTACGTGCTTACCACTTCTTTATTTATTATTATTAGTATTTTAGTTATTTTCAAATAGGATTTTTCTGTTTTA  
GGAACTCATTTATATCATGCTTCAAACGTTACCGCCAAATGGGGTTTGCTAATTCTTTTCGAAATCCGAAGA  
TAAAAAGTTCCCATGGAACCGAACTCCTGGATCATCTGTCAACTGCTCAAT

>trans\_c\_6437 AB063191|Cucumis melo CmEIL1 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

GCGCTGAGGAGGAACCAAGCTTTGATGTTCAAGATCGTAAACCTGACAATCACAGCTCGTTCAACTTAGGGAT  
GGACAGAATGAGAGATCGGGTGTCCTTCGTCAACCACCTTATGCAATGAAAGGAGAGGTTACTACAACTT  
GGATTTTATGCGAAAGAGGAAACCTACCAGCGATTTGAACATGATGATGGATCAGAAGATCTATACATGTGA  
GTTCTCCAATGTCCTTATAGCGAACTTCGTCTCGGGTTTAATCTGTCTCATGAACTC

>trans\_c\_6438 HM004361|Glycine max SGF14c mRNA, complete cds

ATAGTCAGAGTACAAGCCGAAGTACAAAAGCAGCAGCGGCAAATTCGAAGCCAAGATTTTCAGTTCCATTTG  
GAGAAGCGATGACGAAAGAGAGAGAACTACTCGTTTACTCTGCTAAATTGGCTGAACAAGCTGAGAGATATG  
AAGAGATGGTTGAGGAAATGAAGAACTTGCGAAGTTAAATGTGGAATTGACAGTGGACGAGAGAAATCTG  
CTATCTGTTGGCTATAAGAATGTAATAGGAGCTAGACGAGCTTCTGGCGTGGCTCAAAG



>trans\_c\_6439 GQ997694|Nerium oleander voucher FLAS:W.S. Judd 8076 ribosomal protein S12 (rps12) gene, complete cds; chloroplast

TCCTAACTAGATTTGGTTGAGTAATACATATGTTAAGACACATGCCAACTATTAACAACCTATTAGAAACACA  
AGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAAATCGCCCGCCCTTCGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGAACATGTACTA  
GGGTGTATACTATCACCCCCAAAAACCAAACCTCTGCCTTACGTAAAGTTGCCAGAGTACGCTTAACCTCGGG  
ATTTGAAATCACTGCTTATATACCTGGTATTGGCCATAATTTACAAAAACAAAGA

>trans\_c\_6440 AP009370|Barbarea verna chloroplast DNA, complete sequence

TACTCGCGCGGCCTAATGATAGGAATAAGCTTACTGATCGGCAAAAGGAGAACGAAAAAATTAGAAATATTC  
CTACTAATACTAATATCAACTATACTGATGAGTCTGAGGACTCAGATCAAATTTCTCTGATACGCTATTCCTACC  
AATCGGATTTTCGTCGAGAGCTAATCAAAGGCTCTATGCGTGCTCAACGACGTAAAACATTTATTGGGAACT  
GTTTCAAAAACGTGTACATTCTTTTCTTCCTCTGGTGTACCACAATAGCACGG

>trans\_c\_6441 DQ131179|Populus deltoides lipoxygenase LOX2 (LOX2) mRNA, complete cds

AGATTTTGGTTCAATTGGAGCCATTTTCGTTGAGAATGAACATCACAAAGAGATTTTTCTCAAGGATGTTGTCA  
TCGAAGGCCTCCCTTCTGGCCCTCTAAACTTCGTCTGCTCTTCTTGGGTTAATGAGAAGGATCATCCCGACAGC  
AAGAGAACTCTCTTCACTAAGTCATATTTGCCATCCAACACTCCTGAGGGCCTAAAAAGACTTAGAGAAG  
AAGAGCTCAAAGCTTTGCAAGGGGATGGCGTTGCGGTGCGACTCCAGGTGCTT

>trans\_c\_6442 AY110611|Zea mays CL773\_-1 mRNA sequence

CAATTTGCTAACAGAAAGAATGCTGAGGATGCATTACAGGGACTGAATGGAACAGTTATAGGGAAGCAAAC  
GTTTCGTCTTTCTTGGGGCCGAAGTACAGGGAACAAGCAGTGGAGAGGTGATTCAAATAACCAATGGAATGGT  
GGACGTTATGGTGGGCAAAGCTATGGTGGATATGGTGGCTATTACTCTGTACCACAGCATCAGGACCCAAAC  
ATTCATCCCACAGCTGCTGCTGCTGCTGCATGGCATGTAGACAGAACAGATGTCT

>trans\_c\_6443 U55837|Populus tremula x Populus tremuloides carbonic anhydrase (CA1a) mRNA, nuclear gene encoding chloroplast protein, complete cds

TGGAACAAATAACAGCAGAATTA AAAACTGTAGATGGAGAAAAGCCAGCCTTTGATCCTGTTGAGAGAATCA  
AAACTGGTTTCATTCACTTCAAGAAGGAGAAATATGACAAGAACCAGAGTTGTATGGTGAACTTGCAAAAG  
GCCAAAGCCCCAAGTTCATGGTGTTTGCTTGCTGCTGATCTGGAGACACATTTGCTGTGCACCTCCAGCCCTTGA  
TTTCCAACCTGGGGAGGCTTTTGTGGTCAGAAATGTTGCCAATTTGGTTCCTCCAT

>trans\_c\_6444 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

CTCTAGACCTAGAGTAGTGGTCCTGGAACGAGCGACCGTCTATTCTGAAGACAGAATGTGTATACGAGTTCTT  
GAAAGTAAAGGAGCAATAACCAATTGAGGTGAGCCGGTCCGCCAATCGACTTGGGGCATGGACCGATGCGG  
ATTGAGTGCCGCCGGACATTTGTGGCACCCACTATTTGTTTATACAGTAGTAATATTCTTTGTTTCTCTTTCATT  
TTCGGATTCTATCTAATGACCCGGGACGTAATCCGGGGCGTGAAGAATAACAG

>trans\_c\_6445 DQ785847|Cucumis melo subsp. agrestis maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

GACGAATCGATCCAGTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAGTTTCGCTTTAGCCAATGATCC  
AAGCAGAGTAATAATAGGAAGTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATCTATTAGAAATGAATTTTCTAACA  
TCTGAGTCCATACCACTGAAGTATTTAATCGAACACTTGAATATAGCCCAAAAGTCAAGAGAACGCTTGGA  
TATGGGGTGATATGCGATAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGT

>trans\_c\_6446 AJ489964|Oryza sativa z112c snoRNA gene

GGCTGCTGTACGGGGTTCGCGGCTCTCAGAGACCCGTTTCAAATCAACCACACAGTAAGAAATCATGGAACC  
AGATGAGGATTCCCGACCAGAAAAATCCCCCTAAACCAAATCGCTCCAGCACGAGGGTAGGCTAATGATAAG  
GCTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCTTTTGGAGTGTACATACGGCACTTC  
CTATCAATTGTGGGAGTGTTTCGTCATTGGAAACCAAGCACCCCTTCTCCGAGT

>trans\_c\_6447 AJ842754|Beta vulgaris subsp. maritima chloroplast DNA for partial psbA gene, IGS  
and partial tRNA-Leu (UUU) gene, haplotype CMS E

TCATCAGGGACTCCCAAGCACATGAATTCTCTAGAAATAGAAAATGAAGGGCTTGTTATCATGCCACCGAATG  
CACTGCATCCGAGAGAGCGAGCGCCAACGACGCGGCCCCGCAATGACAACCGAAGATGTCAAGGCGGAACGC  
GATGCGGGCTATCGGGTTCGTTGTCCACCCAAAGATGGGTGTCACGTCTTAGGGGCCAACGGGACGCGTCGC  
TTCCATCGTGTGAGGTACCGATGCAAGAACCGATCGATTGTGACCGCTCGAACTCAAG

>trans\_c\_6448 XM\_003074032|Ostreococcus tauri heat shock protein 90C (ISS) (Ot01g00190)  
mRNA, complete cds

CCAGGAGGCAAGGAAGAAGAAGAAAATCAAGCCTAAAGAAGAGACAAAAGTGGAATCAACTCCAAGCCTAT  
CAAGGCAATGAACAAGGGCTCGCATTAAAGCTATCACCTGGACCTTTGTTTTTGAACAGGTTAATATGGATAG  
TCAAGAGGAGCGAAAGCGGCTCGACTGTCAGGAGAGGAGCGAAGCCACTCGACTGAGGTTAGGAAGGTTCA  
GAGCGAAGCCACTCGTAGTTTTCAATATAGGAGAGGAGCCGTAGAATTATAAGAGGTCT

>trans\_c\_6449 X80170|O.berteriana rpl2 gene

TGGCGGAGTTTTAGGCGGCAAGAGACTTTAGGGCTTGTTGGAGGTGCTGAGCATAAGGAATCGAAAGCAGA  
GAGGGATCAAGGTAGCTTACCTGCCAAGCCGATAGGCGAAGGGCCGAAGGATGGAGCGTGCAAAGTCAATC  
GTGTACCTGTCACTTATTTTATAGCCAGTCATAAATGTTTCAGCGGGCGGAGCAACAGCAGGCCATAGCCAAC  
TGGGTTCTAACCAGCGACTTATTGCGACCCGCCATCCGCGCCATACATATCTGACAA

>trans\_c\_6450 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TTCTGAGTTTGTCTCCCGCCCCCCCCGGAGTCGCGGGCTTTCGATCGAGTAAATTTGTAAATGAATTATAT  
ATTTAGATACCAGATGAGTCAATAATTTATCAGAATTTTGATAATCAATCTACTTTCAGATTAACTCATGCGATA  
GGGCCAAGATACTTTGATTTTTTACGTTTTTCGAAACATTATCATGGATTACGGCACTTACATATAGCTTTATTT  
GAGCGTTAGCATCCGAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAACCAAGTTC

>trans\_c\_6451 FJ669710|Touroulia guianensis 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCGGCGTGCGCGGATGTGACTACATAAGTTGCTCAGATATATTCTTGCCGACAGGCCCGGGTAATCTTTGA  
AATTTATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGAGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCA  
TCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACCGCCCGTCGCTCCTACCGGGGCAATTGTCACTGCT  
TATGGACCCGAACCTGGGTGATCTATCCATGACCAGGATGAAGCTTGGGTGAA

>trans\_c\_6452 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

TGCTGCGTATCTCGCTGAAATAGATTCGCGGAAAACCAGCTATATCCGATCTTGGTTGGCCTTTCACCCCTAG  
CCACAAGTCATCCCCCCCCCATTGTGCGTGTGGGTTCTCGTCTCAAGGCCTGTTAGAGCTCTCTTCAACCTG  
CTCATGGCTAGATCGATCGGTTTCGGGTCAAATAGGAAGAACGAGAATCTTCCACCTCTGGAAAGCGCCTACA  
CCTAATGGCTTAAGCCGAGTTCCCATTTTCTCGCTGACCCATCATGCAAAA

>trans\_c\_6453 GQ998285|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TGGACAGAAAGACCCTATGAAGCTTCACTGTTCCCTGGGATTGGCTTTGGGCCTTTCCTGCGCAGCTTAGGTG  
GAAGGCGAGAGGAATTTTTTCCGGGGGGGGCCCCAGCCATCAGTGAGATACCACTCTGGAAGAGCTAGAATT  
CTAACCTTGTGTCAGGACCTACGGGCCAAGGGACAGTCTCAGGTAGACAGTTTCTATGGGGCGTAGGCCTCCC  
AAAAGGTAACGGAGGCGTGCAAAGCTCCGGTCTTGAAAACCGGGCATCAGCGATT

>trans\_c\_6454 EU314657|Agrostemma githago ribosomal protein L20 (rpl20) gene, complete cds; rps12 gene, partial cds; and ClpP (clpP) gene, exons 2, 3 and partial cds; chloroplast

GTCATCCGGTTAGGATTGATCTAAACCAACTCATTATGTATACAATTCAACATGCCAACTATTAAACAACCTTATT  
AGAAACACAAGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAAATCGCCCCCCTTCGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGA  
ACATGTACTAGGGTGTATACTATCACCCCCATTTTTGGTTCAATTTACCCAGAAAGTACAAAATTTTTCCCGTA  
TCAGTTATAAGTACAGTGAATAGGATAGAATGAATGCTTCTAATCCGTTCA

>trans\_c\_6455 Novel Gene

AACCCTTGATCTTAGTTGCCAGCATTAAAGTTGGGCACTCTAAGGTGACTGCCGGTGACAAACCGGAGGAAGG  
TGGGGATGACGTCAAGTCCGCATGGCCCTTATGGGCTGGGCCACACACGTGCTACAATGGCAATGACAATGG  
GAAGCAAGGCTGTAAGGCGGAGCGAATCCGGAAGATTGCCTCAGTTCGGATTGTTCTCTGCAACTCGGGAA  
CATGAAGTTGGAATCGCTAGTAATCGCGGATCAGCATGCCGCGCACGGCGCGTACC

>trans\_c\_6456 AF008957|Luffa quinquefida 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

TTCTTGCTGTACATAAATAACACGCAAAAATCAGGGACTGTCTGGTAATTGGAATGAGTACAATCTAAATCCC  
TTAACGAGGATCAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCAGCCGCGTAATTCCAGCTCCAATAGCGTATATTT  
AAGTTGTTGCAGTTAAAAGCTCGTAGTTGGACCTTGTGGTTTGACATCGGTCCGCCTATGGTGAGCACCGG  
TCGGCTCGTCCCTTCTGCCGGCGATGCGCTCCTGGCCTTAAGTGGCCGGGT

>trans\_c\_6457 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GCGTATCTCGCTGAAATAGATTCGCGGAAAACCAGCTATATCCGATCTTGGTTGGCCTTTCACCCCTAGCCAC  
AAGTCATCCCCGTATAAACATGTGTATGTGGGGTTCTCGTCTCAAGGCCTGTTAGAGCTCTCTTCAACCTGCT  
CATGGCTAGATCGATCGGTTTCGGGTCAAATAGGAAGAACGAGAATCTTCCACCTCTGGAAAGCGCCTACACC  
TAATGGCTTAAGCCGAGTTCCCATTTTCTCGCTGACCCATCATGCAAAA

>trans\_c\_6458 AY029747|Populus deltoides 23S ribosomal RNA, 4.5S ribosomal RNA, and 5S ribosomal RNA genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

AACGTCTCGAAAGATAACAGGCTGACTTCCCCAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTGGCACCTCGATGTC  
GGCTCTTCGCCACCTGGGGCTGTAGTATGTTCCAAGGGTTGGGCTGTTGCCCATTAAGCGGTACGTGAGCT

GGGTTCAGAACGTCGTGAGACAGTTCGGTCCATATCCGGTGTGGGCGTTAGAGCATTGAGAGGACCTTTCCC  
TAGTACGAGAGGACCGGGAAGGACGCACCTCTGTGTGCAACTGTATCGTGCCC

>trans\_c\_6459 GQ997116|Aucuba japonica voucher FLAS:M.J. Moore 327 ribosomal protein S16  
(rps16) gene, complete cds; chloroplast

AGCTCCCGAGCACGCTCGGGCACGACCCCCCTAAAAAAGAGCTCGAGTGCAACCGAACAACTA  
TGTCGAGTCAAGAGCATCTTCATTCTATATAATAAATGGTGGGTGTAAGAATCCACAGTGGATCATGTC  
CTTCAAGTCGCACGTTGCTTTCTACCACATCGTTTTAAACGAAGTTTACCATAACCTCTAATTTCTTGAACTG  
GTCAGATGACCACTGCAATACCCTGTGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAA

>trans\_c\_6460 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

ACGCGTAGTCGATGGACAACAGGTGAATATTCCTGTACTACCCCTTGTTGGTTTTGAAAAGTTTCACCTGTTTCG  
ATTAGGACCACTTTTTACAGGTCAGTGGAATCTTTATGCTCAAACCCCGATTGAGGCGGCTGCCCGCCCAACG  
TCCCCGAAGGAGCAGGAAGTCCATTCTAACCCCTCTCGGTGGATTCCATCCGCAAACGCAAAGTTTATGGCT  
GACTGATATGGCTCATCATCATTTAGCTATTCGTAAATAAAAAGAACAA

>trans\_c\_6461 M60166|Tomato (L.esculentum) H<sup>+</sup>-ATPase (LHA1) mRNA, complete cds

TGGGCATCGTATAAAACCAACTTTTTCCCTCGAATCTTTGGAGTACCAACCCTTGAAAAACAGCTCATGATGA  
TTTCCGGAAGCTAGCCTCAGCTATATATCTACAAGTGAGCACTATCAGCCAGGCTCTCATTTTTGTTACGCGAT  
CTCGAAGTTGGTCTATGTGCGAGCGTCTGGGTTATTTCTTGTAGTGGCTTTTGTCTTGCTCAACTGGTTGCCA  
CACTGATTGCTGTCTATGCTAATTGGAGTTTTGCTGCCATTGAAGGA

>trans\_c\_6462 U42542|Aeschynanthus radicans 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAAGACGGGATAGTTGAAAGCGATGGTAGGATCACCGCCTACTATGGTGGTGACGGGTGACGGAGAATTAG  
GGTTCGATTCCGGAGAGGGAGCCTGAGAAACGGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTAC  
CCAATCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCCCGACATACCAAATCAGGATGACTCAACGGCCAAGGCAG  
ACGTGGCTCGGGCTTTCCGGTAGAAGCTGTTGGCCTTTCCAAACAATTCTAATGCT

>trans\_c\_6463 EU002403|Datisca cannabina photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB)  
gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes,  
complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

CCCAAGTCGATTGGCGGACCGGCTCATCACCGTTCCACATCCGACTGGCGCAACCAATGCTTCCATAGATTTG  
ATTCGGTTTACAATTATAGCTTCCATACCTGTTTAATTGGGAGAGGGGCATTCGCCCCCAGACCAAGACAA  
GAGTCAAAGAAATGAAAAGTAAGCAATCCGAATAAAGATTTATCCGGTACCCTATCTATGTCAAATCAAAAAA  
TAAAGGAAAAAAGAACAGAGCAATCTTGGGAAGTTCTACCAATCGCTC

>trans\_c\_6464 NM\_128517|Arabidopsis thaliana THIC (ThiaminC); ADP-ribose  
pyrophosphohydrolase/ catalytic/ iron-sulfur cluster binding (THIC) mRNA, complete cds

TCCCCTGAACTAGTACAGAGAAAGCCAAGAACAGTAAACATACAATTGATCCTTCATCTCCTGATTTTCTGC  
CACTTCCTTCATTTGAGCAGTGTTCCTCAAAAAGCACAAAAGAACAAGGAAGTCGTTTCATGAAGAACTGG  
GCATGTGCTCAAAGTACCTTTTCGTCGGGTTCATTTATCTGGTGATGAACCAAACCTTTGATAATTATGACACCA  
GTGGTCCTCAAAACATCAACCCCCGGCGGTTTCGGTAACCCCAGGCCCT

>trans\_c\_6465 XM\_002300667|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB19), mRNA

CTGATAGAATGATGCTCACGTTCTCCGTTTTCCCATCTCTAAAGTTTCTGATACTGTTGTTGAGCCTTACAACG  
CAACTCTCTCCGTTTCATCAATTGGTTGAAAACGCCGACGAGTGCACAATACTTGATAACGAGGCTCTCTACGAT  
ATTTGCTTCCGGACCTTGAAGCTCTCCACTCCAAGCTTCGGTGATCTGAACCATCTGATTTCTGCGACTATGTCC  
GGTGTGACCTGCTGTTTGCATGAAAGGGACAGCTCAACTCAGAT

>trans\_c\_6466 GQ997359|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 RNA polymerase beta'  
subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

AAGCCCCAGAAAAGCTAGGCCTATAGCTAAAAAACCTACTTTCTTACGATTACGGGGTTCATTGGAATATGAA  
ATCCAATCCTGGAAATACAGCATCCCACTTTTTTTTACTACCCAAGGCTTCGATACATTTGAAATCGAGAAATT  
TCTACTGGAGCAGGGGCTATACGAGAACAATTAGCCGATCTGGATTTGCGACTTATTATAGATTATTCGTTGG  
TAGAATGGAAAGACGGCTGCGCCAGGAAGTTTTTGCATAATGAATGGG

>trans\_c\_6467 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AAATATCTCTATTTTAGGGATCGCGAGTAAATTTGTAAATGAATTATATTTAGATACCAGATGAGTCAATAA  
TTTATCAGAATTTTGATAATCAATCTACTTTCAGATTAACATGCGATAGGGCCAAGATACTTTGATTTTTTAC  
GTTTTCGCAAACATTATCATGGATTACGTATGATACATATAATTTTACTTGATGAATATCATAATTTATCTCATA  
AATAAATATTACTTATTCAACAAATTCGATTGATTGATACAGACA

>trans\_c\_6468 EU161367|Macrozamia moorei 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CATTGGCCTTAAAGCCAAAACCCTCTTCATCCATCCTCTGCTCCGCCTTCCAAATCAAATCAAAGTCAAACCC  
CCTCTTCTCTCTTCAAGCCTTCTCCGCTGCCTTGGCTCTCTCCTCCATCCTCTCTCCGCTCCTCTCCCGCCGTC  
GCCGACATCTCCGGTCTCACCCCTGCAAGGAATCCAAGCAATTCGCCCTCTCCCGGCGAAAGTGAAATACCA  
CTACTTTTAACGTTATTTTACTTATTCCGTGAAATAAGGCGCCC

>trans\_c\_6469 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

TTGAAGATGAAATTCGCCCCGGGACAGAGTTAGAACCTCAACATTACCAGGGTGGTATTTCAAGGATGGCTCCA  
CGCAGACTGGCGTCCACGCTTCAAAGCCTCCACCTATCCTACACATCAAGGCTCAATGTTCAAGTGTCAAGCTA  
TAGTAAAGGTTACGGGGTCTTTCCGTCTTGCCGCGGGTACACTGCATCTTCACAGCGAGTTCAATTTCACTGA  
GTCTCGGGTGGAGACAGCCTGGCCATCGTTACATTTAAAGCACACTTG

>trans\_c\_6470 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AGAGTTTAACCAACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGATTAGATAGAAATGAAGAA  
AGGAAAAAGGAGGACTTTTAAATATAACCCGATCTGTCCAACCTGATATGTATGGTGGAATCCAATTGATTT  
TGACTTCAAGCATTAGATCGCCTGTCTCAGTTAAGAGGAGTCATGAACAGAACAGGTTCAAATCACGATCAA  
TTCCTTTTTCAAATCCTGCGGGAGCTGCACGAGCCCTTCTGCATGCCATA

>trans\_c\_6471 EU314657|Agrostemma githago ribosomal protein L20 (rpl20) gene, complete cds;  
rps12 gene, partial cds; and ClpP (clpP) gene, exons 2, 3 and partial cds; chloroplast

TCCTAACTAGATTTGGTTGAGTAATACATATGTTAAGTTGTATGCCAACTATTAACAACCTATTAGAAACACA  
AGACAGCCAATCAGAAATGTCACCAATCGCCCGCCCTTCGGGGATGCCCTCAGCGTCGAGGAACATGTACTA

GGGTGTATACTATCACCCCCGAACCATGGACCGGGACAAAAGAAAGTACAAAATTTTCCCGTATCAGTTAT  
AAGTACAGTGAATAGGATAGAATGAATGCTTCTCCGAATGGACAGACCG

>trans\_c\_6472 AF011557|Lycopersicon esculentum jasmonic acid 3 (LEJA3) mRNA, partial cds

AGTTGAAACTCCAAGTCTTCTGTTCTCTCCTTCTCAGAAACTCATCGACAGTCTCAGCCGAATCAAACACA  
GAGCTTCTTCACCAACAGGGAATTGAATTTCTCAGAATTAGGATTTGAGAATGGTCGTTTGAAGGATAGGAAT  
TCCACTTCGTTGAACCCGGAATCCGGTGAGATTCTGAATTTGGCGAGAGTACGAGACCTACTTCTTATCCCAC  
CCCCGCTCACCATTACCTTCCGGGCAACTCCTCATTTGCCCGGGAT

>trans\_c\_6473 HM363081|Chasmanthium latifolium photosystem II CP43 chlorophyll apoprotein  
(psbC) gene, complete cds; chloroplast

GGAAACGAGAGGGCCGTTCCAGGGCTAGGGCTAGTTGATGTCAACAGAAACCACCGGTTTCGCTTGGTGGGC  
CGGGAATGCCCCACTTATCAATTTATCCGGTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGATTAATCGTA  
TTCTGGGCCGGAGCAATGAACCTATTTGAAGTGGCTCATTTGCGTTAAGAGGATTTGCACGCAGGTGGAAG  
CCGGCCCCGTCCTTTTGTTCGATCGTCCCGAATTCTGGGCAGCCGGTGAAAG

>trans\_c\_6474 AC092750|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare from  
chromosome 10, complete sequence

TCCGGAGAGTTATGTACTTGAAGTGTGGGGCCAAGGGTGATTGGCTTCTAGGTCACTTTTGGTGACATGTAA  
AGAGATCTGGTCGGCGATCGTTGATCGACGATCGGATTTGGAGCTAATCGAGCGAGATGGAATTCAAGGTAT  
TTGATATGGGATTTACCGATGAAGATCGAGGGATTGATCGATAACCTTGAAAGTTATTTGGAAAAATCGCTAT  
GTAGCTTTGAGATAATTGTACAGATCTGGGGACCTTTACTTATCCAACCTCC

>trans\_c\_6475 EF644094|Desmanthus fruticosus voucher Hughes 1532 tRNA-Lys (trnK) and  
maturase K (matK) genes, partial sequence; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCTCTGAGATTAGAAATTCACGCTAGCTCAT  
CTTTTACACATTTCTATGAAGTAACAGATTCGTCCATACTATCGGTAGAGTTTGTAAGACCGCGACTGATCCTG  
AAAGGAATGAATGGAAAAAGCAGCATGTCGTATTAATGGAAAATTCTAGTAATATTTTACCTTACTAGATTA  
GGCCAAACTTGTGTTGAATTCTTGATGCGGACCGGCTTAATGGGAGGGG

>trans\_c\_6476 Novel Gene

AGGGGCTCGCGTCTGATTAGCTAGTTGGTGAGGCAATAGCTTACCAAGGCGATGATCAGTAGCTGGTCCGAG  
AGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGACACGGCCCAGACTCCCACGGGGGGCAGCAGTGGGGAATCTTGG  
ACAATGGGCGAAAGCCCCGATCCAGCAATATCGCGTGAGTGAAGAAGGGCAATGCCGCTACATTTGAGAAAG  
CTCGAGTGC GCGATCATGACAGGACTCGAGGAAGAAGGGGGCCGATTGAGGCA

>trans\_c\_6477 NM\_001049336|Oryza sativa Japonica Group Os01g0295700 (Os01g0295700)  
mRNA, complete cds

GATATTGGACCTAGGAGATACATGGAAGATGAACATATAAGGATAGATGATTTATCTTCACACTTAGGATCGC  
TCTTTAAGTTTCCCAAGCCAAGTGCTTTCTATGGGGTGAGTTTTCGAGTCCTTTGTTTTTGGGTAGTCGTTTG  
TATAGTATGGATGATTGTTTGTGTTGTGATCTGAGGTGGGAGTTTGATGTGTTGAATCTGTTGATCATCAGGT  
ATTGATGGACATGGAGGTCCTTGATAGTCAGGAATAAGAGAGGAG

>trans\_c\_6478 NM\_001160984|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G67580)  
mRNA, complete cds

TTTATTACTTTTCGAAACCTCTCTATCTCTGACCCCAAAGCCAGATTCAATTGCATCATCAGATCCACTCCCCTG  
GATAACTCACCCGGTTCCTGTGCGATGATACTTCCAACCCATTTTTCAATCAGGCAACAATCACTACGACTAAC  
GCCATCACTATTACTTGAATTGCTCCTGGTAGAAGACGAATGATAATGACCATTACAACCGCGTTCTCTTTCA  
TATCTTCATGGCTAACCTAACTTGTCTTTGACGTCCCGCGCTA

>trans\_c\_6479 M88258|Arabidopsis thaliana

TAATTCGTCTTGGTATTGGATTCGCTCTTCTTAGCATGAAATGAATTAGATTCTATTTGTCTGATTTCTTCTTA  
AGAGAACCCCCACCCGAACCATTTAAGACCACCAAGCCCTCTCGAATGAGTTCGACTATAGAAGCTTTCAA  
CGTACACCCGGGGACAAATCTTCACTCACTGAGAAGTGAAAACCTGTGACTAGATCGTCCTGAAGACGGATG  
CGACGGGAAGAAATGGCATTAGAAAGTGTGGCTAACTCTGGATTT

>trans\_c\_6480 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

TATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGTCTCGCGATCCCTTCTACAGCT  
TGGCCCGCAGCAGTACCTTGACCAATCCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCGACGGCCAACCCAGCAGCAATA  
ACGGAAGCGGCAGAAATCAGTGGATTCATGATAAGTTCCTCACACCAAAGTCTGCACTGGGCAGAAATCACA  
TTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTAAACC

>trans\_c\_6481 HM590376|Dendrobium chrysanthum voucher NCHU-D89331201-1010 18S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and  
internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAAGTAGCTACGCTCTCGGCTCGGCGCTGGGCTCTCCCTGTTCACTCGCCGTTACTGAGGGAATCCTGGTTA  
GTTTCTTCTATAGGGTGATAGATTGGTCCAATTGGGTGTGAGGAGTTCAGTTATATGTTTGGGATTTTTTAGTT  
AGTGGGTGTTGAGCTTGAACGCTTTCTTAATTGGTGGCTGCTTTTAGGCCTACTATGGGTGTTAAATTTTTTAC  
TCTCTCTACAAGTTTTTTCCTAGTGTCCAAAGAGCTGTTCTCTTT

>trans\_c\_6482 M14418|Tobacco (N.tabacum) GapB mRNA encoding B-subunit of chloroplast  
glyceradehyde-3-phosphate dehydrogenase

CCCCAAGGAAGCTTAAGGGGATCCCTGCTCGAGACAACCTTGATTGGCTTTCCATCAACAGATATGGTTTCATT  
GTCTACAATTTTCATTCTGCTTTGAAAGTTCCCAGCATGGAATCATACTTTAGCAAGTGGGAGGCATTCTTGA  
CGCCACCGCTGTCATTGACGACAACAACGTCAAGAGGTGAATCTTTCCTGCCATGCCAGCACCGCAGGAAGTT  
TCTGCCGATACGTCCAAATCCATTGATTGCCACCTTAAGTTTAGCCA

>trans\_c\_6483 AY968421|Seyrigia humbertii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATGAGCCGGTCCGCCAATCGACTTGGGGCATGGACCGATGCGGATTGAGACGGCGGCCTACGCCAGGCCTT  
TGTTACGCCGTGTTCTCATGATAAGTCACGATCGTGGCTGGCAGCGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCT  
GCGCGCTCCTGGCATCGGCCTGTGGGCTCCCCATTGACCCGTCTTGAAACACGGACCAAGGAGTCTGACATG  
TGTGCGAGTTAACGGGCGAGTAAACCCGTAAGGCGCAACCTTGCTGACAC

>trans\_c\_6484 X13914|Wheat signal recognition particle (SRP) 7S RNA variant 2

AGGGAGCTTGTAACCCAAGTGGGGGCACTGAGGGTGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCCGTGTAGGGCTTTA  
CTGAGATGATTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCCTTTTGTCTCGACGTAGGTTGGGAGTCC  
ATTGCTCGTAAAGATGGTGGGCACCGCGTGAGGCTGGATTCACAGAGCAGCGTTACCACCCACTCTCAGCGG  
TGGAAGGATAACGGGCCCGGTGAGGTGTGGGTCTAACATTACACAGTGGGT

>trans\_c\_6485 X06595|Tobacco mtDNA for ATPase subunit 6

TAATATGATGGCCGGTCATAGTTTAGTAAAGATTTTAAGTGGGTTCGCTTGGACTATGCTATGTATGAATAATC  
TTCTCTATTTTCATAGGAGATCTTGGTCCTTTATTTATAGTTCTTGCATTAAACCGGTTTGAATTAGGTGTAGCTA  
TATTACAAGCTTATGTTTTACGATCTTAATCTGTATTTACTTGAATGATGCTACAAATCTCCATTTAAATGGTTA  
TTTATTTATAATTGAACAAAAGCGAGGCTCCGTTAGCCGAAA

>trans\_c\_6486 AY024287|Oryza sativa microsatellite MRG6612 containing (TGTA)X8, genomic  
sequence

GGACTACTGACTCGCTAAAATAATAACATCACCTTTATATGATTCCCTATAGATACCTACATCCATATAGGTATA  
TTGGCCCCCGCGAGACCCACGGGGTCGCCGATCTCTTATCTATTTTCTATTTTGAATACTTCTAATTGATTTT  
CTCAGATATCATGTTTACGTATGTATAATCGCTTATGTTTGGAGTAAGCCACATGTTAGATTCTAGTCTACGCCA  
TAAGTCGCTGCACTATGGCATGGGACAGCCGTATTTAAGTCT

>trans\_c\_6487 EF207448|Kalanchoe daigremontiana inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

TCCGAAGTGAAGAATGGTTTTATGGGATTTGCTACACCTCGCGGCTTCGCTGCCCTTTGTACCATCCATTGTAGC  
ACGTGTGTAGCCCAGGTCATAAGGGGCATGATGATTTGACGTATCCCCACCTTCCTCCGTTTGTACCCGGC  
AGTCGTTCCGAGACATTTGGTCAAATTGGGGCACTAAACACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCA  
ACACCTTACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCACCACCTGTGTCC

>trans\_c\_6488 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

TGAGTGAGAGCTACACGACCACTTGATGAAATGGGGAGGGAAGTGGGACAAATGGCCGAGACTACTGGAAG  
GATTCCTCTTTGGATAATCGGTACTGTAAGTGGTATTCTTGTGATCGGTTTAGTTGGTATTTTCTTTTATGGTTC  
ATATTCCGGCTTAGGTTTCATCTCTGTAATAATCGGATGAAGTCAAGAGCCGGCGACTCATAGGCAGTGG  
CTTGTTAAGGGAACCCACCGGAGCCGTAGCGAAATATCTGAGGACG

>trans\_c\_6489 AF055707|Brassica napus ribosomal protein S4 (rps4) gene, complete cds

TCCCCCTCCCCCTCCCCTTCCAGTTGAGCAAGAACTTGGGCGAAATGGGGTTCTACCGGGAACCATAGATTTT  
TGAGTTTTCGCCATTGCTTACTGGTCAAGCCACTGGAATGGAATAAGATAAGAATCTCTGGAGATCTTTCCTCT  
CCACTTAAGATTAATCGTAACAGGCTTTCCCTCCGTAGAAGACTGATTCCGAATGGCATAATTGTCCTTTTCCTC  
GATCTTCAAAGAAGACTGACTTATCCTACTCCTCCTTCTCCT

>trans\_c\_6490 FM994171|Phaseolus vulgaris partial comparative anchor tagged sequence  
candidate Leg208, variety BAT93 x Jalo EEP558

GAACTTGTAGTCTTTCGGCAGGGAGAAGAATATGGTCGAGCTACTTCCGTCCCTCATCTGGAGCTTTTTCTTTC  
TCCATATTCACCTGTGTCTTATTTCAATGAGCTTCGATTATCTTTGACTTTATTCATTGATTCAGTCGAGACCTC  
TGGAAGTCGTCCGGAGTCATTTTCATTGTCTTATCAATTTCAACTCCTACTCCGCCTCTATCTGAATTGGTTCTAC  
GTAGCTTATAATCTCCGAGAAGTCTTGTCTTCTAAAGCCA



>trans\_c\_6491 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete sequence

GTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGGGTTGTCTCGCGATCCCTTCTACAG  
CTTGCCCCGCAGCAGTACCTTGACCAATCCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCCGACGGCCAACCCAGCAGCAAT  
AACGGAAGCGGCAGAAATCAGTGGATTGATGATAAGTTCCTCACACCAAAGAAAGAAATGCAATGCAAATG  
TCGATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGG

>trans\_c\_6492 Z11889|*Triticum aestivum* mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GCGTATCTCGCTGAAATAGATTTGCGGAAAACCAGCTATATCCGATCTTGTTGGCCTTTCACCCCTAGCCAC  
AAGTCATCCCCGTATTTGTAACACGCACACCCAAGGGTCTCAAGGCCTGTTAGAGCTCTCTTCAACCTGCTCA  
TGGCTAGATCGATCGTTTCGGGTCAAATAGGAAGAACGAGAATCTCCACCTCTGGAAAGCGCCTACACCTA  
ATGGCTTAAGCCGCAGTTCCCATTTTCTCGCTGACCCATCATGC

>trans\_c\_6493 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate carboxylase/oxygenase, complete cds

CGGTTAGGGTCACCATGAATGAGGACACAGTGCATACACCCTCATCGCCTACAAGCCCCCAAGATTCTACACA  
TCTCCTAAATTCCATATGCTGCGGCTTTCTTGAGGCGAATTTCAACCATTTGCCTTTTTTAAAGCTTCATCACTT  
GGGTGGTTTCAACCAAATTTCCCTCCTTTAATTTTTTTCTTTACTCTTTTTTCTCGCCCCCTTGCGACCCAGAC  
TGATATTTGTCGTTTATCAGACCCGGATGCGCTGCGCCC

>trans\_c\_6494 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate carboxylase/oxygenase, complete cds

CTGTCAGCCCCCTCCTTAGCGCCGCTGCTTTCCCCGTCACCTCGCAAGAACAACGACATCACCCTTTGGCTAG  
CAATGGTGGAAGAGTTCAGTGCATGAAGACACAATTGTTGTCCACTAACAAGAAGTTGAGACTCTTTCTTAC  
CTTCCTGATATGAGTAACGAGCAATTGGGAAAGGAAGCAAGGGGTTTGGGAGATCAGGCAGCGGCCAGACA  
ACCGTAGGGATGGTATCCACACAGTCCCTTCTTGCTTTTGTACTCTG

>trans\_c\_6495 AP009368|*Olimarabidopsis pumila* chloroplast DNA, complete sequence

AGGGAAGAGCAGGGGAGACTTTGAAAAGGTCGTCTTATTCAAAACCCCTTCTCTCCCACTTTTCTATCTCACTT  
CACACCTTGGAACGCACCGTTCTTATAGAGAGAGAGGCGCTTTCACATCTTCTTAACCCGAAATGGCAAATGG  
CTGGGGAGAGGAAAGGTTCTTTTTTTAGGGTACCCCGGGAACAGATCCAGTGGAGACGGGGTGGGGCCT  
GTAGCTCAGAGGATTAGAGCACGTGTCTGCGAACCACGGTGTCTGGGG

>trans\_c\_6496 D82050|*Fagopyrum esculentum* chloroplast DNA

AAATAACATGAATCTTATTTATCCAAATTTCTTTTTCTCACTATCATTTTTTCTAGAACTTTTATTTAGCATTGAG  
AATAATAAACTAAATTGATTTCGTCTCCGGTAAGGACCACTCAACAACGGATCATATTTTTTGGTAAATAGTC  
TTTTTTAGTTTATCATTACATAATTGAGTCCTTTTTTGAGTACATCCCCAACTAAAGTAAGGGATCCGTGATC  
GAGAAGTCGAATCTCGAGGCGCCAGCGAAAAAGGGGTCC

>trans\_c\_6497 AP009373|*Draba nemorosa* chloroplast DNA, complete sequence

TGCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAACCTGCTCGCGGCAATGGAGCGGCTTGTGTATA  
CCAATGGAGGAAATAAATAAAAAATGTGGAAAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAACACTGTAGACCAATT

GAAAGGGATGTAGCGCAGCTTGGTAGCGGTTTGTGTTTGGGTACAAAATGTCACAGGTTCAAATCCTGTCATC  
CCTACCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGACAACAC

>trans\_c\_6498 NM\_104833|Arabidopsis thaliana LHCA3; chlorophyll binding (LHCA3) mRNA,  
complete cds

ACCAACCCTCTCTGGAAAAACAAAGCCTAACATATGGCCACTCAGGCTCTTGTCTTCTTCTTTAACCTCTTCA  
GTGGGTGCTGCCAGACAGAGATTAGGGGCAAAACCGTCTTTGGATCTTCCAGGAAATCAGCTTCTTTGTAG  
TTAGAGCTGGAGCCACTCCTCCTGTTAAGCAAGGAGCAGACAGGCAACTGTGGTTTGCTTCAAAACAAAGTCT  
TACTTACTTGATGGAAGTTTGCCAGGCGATTTGGGTTAAC

>trans\_c\_6499 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

AATACCCTGTCGCGTATTATATATGATATGAGACAAAAAAGAAGAAATGGCAAGATAATTTGTGTATACCAAT  
GGAGGAAATAAATAAAAAATGTGGAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAAACTGTAGACCAATTGAAAG  
GGATGTAGCGCAGCTTGGTAGCGGTTTGTGTTTGGGTACAAAATGTCACAGGTTCAAATCCTGTCATCCCTAC  
CACGCCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGAACTCCTCAC

>trans\_c\_6500 AP009370|Barbarea verna chloroplast DNA, complete sequence

AGAAAGAAGAAATGGCAAGATAATTTGTGTATACCAATGGAGGAAATAAATAAAAAATGTGGAACAAGA  
CAGGGATTCTCTACAATAAACTGTAGACCAATTGAAAGGGATGTAGCGCAGCTTGGTAGCGGTTTGTGTTT  
GGTACAAAATGTCACGGGTTCAAATCCTGTCATCCCTACCATTGAGATATTGATAAGGTGAATACCCAGTCTA  
TTCAATGCTAGGCATAATGAGTATCAGGACCTCACCTTGGAGAA

>trans\_c\_6501 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TAAACATTTGAAAGTTCTAAATTTATTTATACTTTACTTGTTTTCTTTATACTTGGTCTTGAAGTAGAAAACGT  
TCCATCTGTTCTGAATAGCTTCTTTCAAAGGGCTTCCGCTTCATTGGTCAATGTCTTCGTAGAAGAGATTATT  
TCTTGAAACTGAGGTTTATTCGTTGGGGAGGGGGACAAGAGTCAGATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCC  
CTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATAG

>trans\_c\_6502 AY527182|Citrullus lanatus var. citroides voucher PI482252 NADH dehydrogenase  
subunit F (ndhF) gene, partial cds; chloroplast

TAGAGGTAGACCCAGATATTAAGAGAAGTTTAGCCTATTCTACAATGTCTCAATTGGGCTATATGATGTTAGC  
TTTGGGTATGGGTCTTATCAGGCTGCTTTATTTCAATTTGATTACTCATGCTTATTCAAAGCGTTGTTGTTTT  
AGGATCGGGGTCCATTATTCATCAATGGAATCGGTTGTTGGATATTCTCCAGATAAAAGTCAGAATATGGTT  
CTTATGGGTGGTTTAACAAAGCATGTGCCAATTACATATGA

>trans\_c\_6503 XM\_002302133|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

CTATGGCTCAGAAAGTTCCTGAAGATGGGTGGACAATGCAGGATGGAATCCATGGCCCGGGAACAATGTTC  
GGGATCATCCTGGAATGATTAGGTATTCTCGGTCAAATGGTGTTCTGACTTGAGGGGAAATGAATTACC  
TCGTCTAGTGTATGTATCTCGTGAGAAGAGGCCAGGATTTGATCACCACAAGAAAGCCGGTGCCATGAATTCT  
TTGGTGCGTGTCTCGGCAGCCGCTCTGGGCATCTTGCGTGCCCC

>trans\_c\_6504 AB182927|Citrullus lanatus mRNA for translationally controlled tumor protein,  
partial cds

ACAAGGAAGGAGCTACTGACCCAACATTCTTATACATTGCCCTGGTTTGAAGGAAGTCAAGTGCTGAAAGAA  
CAAACTTTGGAGCAGAATGCTTCATGTAGCATTATTAGTTTCTACTATATTTGCCTTTTTCTCATGACATTTGA  
ATTTGGATGGTTTGGGCTGTTTTTGGGGGAAAACTTGTGGGTCCCCTAAAACCAACAAGGGGTAGTACAGG  
AATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTTTCGGCCTGAT

>trans\_c\_6505 DQ785847|Cucumis melo subsp. agrestis maturase K (matK) gene, partial cds;  
chloroplast

ATATCAAAATCCGACGAATCGATCCAGTTCGGCTTACTAATGGGATGTCCTAAGACGTTACAAAATTCGCTTT  
AGCCAATGATCCAAGCAGAGTAATAATAGGAACTAGTGTATCGAGTTTCTTGGTAGCATTATAGCGGCTCCCC  
TCCGGGGAGCCACGAGTCTGAACGCAACAGTCCTGCGGGCCGATACTGTATTGTACTGTACTCGCAATACCCT  
GTCGCGTATTTAAGTCGTCTCGTTTCCTAAGATGGTTAGCGT

>trans\_c\_6506 AY428812|Quercus suber 26S large subunit ribosomal RNA gene, complete  
sequence

TACCTTTTGTTCACACGAGATTTCTGTTCTCGTTGAGCTCATCTTAGGACACCTGCGTTATCTTTTAACAGAT  
GTGCCGCCCCAGCCAACTCCCCACCTGACAATGTCTCCGCCCGGATCGGCCACGCTTCACCCGGAATGTG  
CAAAAAGAGGGGCAGTGCCCCGCTTCGTTTCACGGAATAAGTAAAATAACGTTAAAAGTAGTGGTATTTAC  
TTTCGCCTTTCGGCTCCCACTTATCCTACACCTCTCAAG

>trans\_c\_6507 AY173934|Cucumis sativus ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast  
gene for chloroplast product

ACTAAGACCGCCCTGCCCTCGGATTTTTCCCTCCGCCTCGGGTTGTCTCGCGATCCCTTCTACAGCTTGGCCCGC  
AGCAGTACCTTGACCAATCCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCCGACGGCCAACCCAGCAGCAATAACGGAAGC  
GGCAGAAATCAGTGGATTTCATGATAAGTTCCTCACACCAAAGTCTGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAG  
CATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTAATTAAACC

>trans\_c\_6508 U81163|Prunus persica auxin-binding protein (ABP19) gene, complete cds

TGACACCTTACCCTCAGTGACGTCGTCCGGTGAGGTTTGAAGTGTTACCAGCAACACCAAGACCCGAATAAAC  
AAAGTCTTTTTCTGTGACAAGGGATGCTCCTCTGCAAGGGAAGCCAGAAGGGGTATCAGGAGACTTGAGGTC  
GGCGACGCAAAAGTCTTTCTGTTCTCGCAGCCTTCCCTCCGTTCTTTTTCACCTCTGACTATGAAATACGAATG  
CCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGG

>trans\_c\_6509 AY133660|Arabidopsis thaliana At1g59710/T30E16\_31 mRNA, complete cds

TAAACTATACATCTCTCCGTTCTTCATTACTACGATGAGGATAGGATTTGTGTTCTGCTTTGGCCTGGCCCCTGT  
TTGAATGATTCGATCACCATCACCTTTTCTCTTTTATATCATATCAAATCAAATCAAATCAACCTTGTTTCTC  
GAACTCACTTCCAATGTGGAAGACTTCAGAACTAGAACAACCTTCAAAGTTCATTGTTGGGAGGAAGTTGC  
AACCGAATTGGATAAAGCTTTCATTACAGAGGGCTAC

>trans\_c\_6510 AY935817|Lagenaria breviflora isolate 27 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGTCCGCCAATCGACTTGGGGCATGGACCGATGCGGATTGAGACGGCGGCCTACGCCAGGCCTTTGTTACG  
CCTGTGGAGACGTCGCCGTACGATCGTGCTGGCAGCGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCTGCGCGC  
TCCTGGCATCGGCCTGTGGGCTCCCCATTGACCCGTCTTGAACACGGACCAAGGAGTCTGACATGTGTGCG  
AGTTAACGGGCGAGTAAACCCGTAAGGCGCAACCTTGCTGACAC

>trans\_c\_6511 GQ998668|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 6 protein (ndhG) gene, complete cds; chloroplast

GACAGTCGGGGGCATTTCGTATTTTCATAGTCAGAGGTGAAATTCTTGGAGAGAAAAATGATGTATATTACCTA  
AACGGACCTGGCTATGTACATTTTCTTGTAGTCTTGTTGGGATTAGGTCTTATATTAGGAAGTATGGGAGTACT  
ATTATTTAACAACTCCATTTATTCTGCTTTTTCTGTTGGGACTGGTCTTGTCTTCTATATCCTTATTCTATATTCTAG  
CAAACGCCCAGTTTGTAGCTGCTGCGCAACTCCCCGC

>trans\_c\_6512 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

TAGTGATTTGGAGGAGATCTCTCGAAAAGTATTTAGTGCCCATTTTCGGCCAACTCTCCATCATCTTTCTTTGGCT  
GAGTGGGATGTATTTCCACGGTGCTCGTTTTTCCAATTATGAAGCATGGCTAGGTGATCCTACTCACATTAGCC  
CTAGTGCCAGGTGTGGGTTAACCGCTGTTTAACTCCCGCGGTCCGTGTGATGTAGGCGGGGGGTTTCGAG  
GAATACAAATAACCTCTGGGTTTTTTCAGATGTGGCGAGC

>trans\_c\_6513 AY968418|Neoalsomitra sarcophylla 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAACTTACAAAGGATTCCCCTAGTAACGGCGAGCGAACC GGGAAGAGCCCAGCTTGAGAACTAAATACCCTC  
GACGTCCGAATTGTAGTCTGGAGAAGCGTCTCAGCGGCGGACCGGGCACAAGTCCCCTGGAAGGGGGCGC  
CCGCTCTGGTGAGAGCCCCGTTGCGCTCGGACCCTGTCGCACCGCGTCGGACCCTGTCGCACCACGAGGCGCT  
GTCAACGAGTCGGGTTGTTTGGGAATGCAGCCCCACGATTATT

>trans\_c\_6514 DQ785847|Cucumis melo subsp. agrestis maturase K (matK) gene, partial cds;  
chloroplast

TATTAATCAGAAGTGGCGTATCTTTTGAAACCAGAATAGATTTTGCTTGATATCTAACATAATGTATCAAAGGA  
TCCTTGAAGATCCGTAAGATAGCCGAAAAATAATTAGCAAACTTTGACAAGATGTTGATTTTTCCATAGAA  
ATATATTCGCTCAAAAAGCCCCCTATAAGAAGTTAATAAGTATTTCTACGGCACGTACAACGTTTTGTGATGC  
GTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGT

>trans\_c\_6515 GQ998782|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ribosomal  
protein S16 (rps16) gene, complete cds; chloroplast

GAAAAGAATTTCAAAGATTCTGAATTCTGCCCTGCCCTATGAGCGGTCTTAACCTCTTTATTTTTGCCTGTCTCC  
GTTAGAATCTATTTGATTCTTCATTCTGATCTAGTTTAGTTATTGAGACAATTGAAAAAGATTTTACTTGTTC  
GGGATCCTTTATCCTTTCCTGAATCATTAGGTTTAGACATTACTTCGGTGATCTTTAATCGTTTCAAATGGTA  
GCAACATACCAGGACATTAACCCACCAACCCAAT

>trans\_c\_6516 CP000597|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 17, complete sequence

CCCTACGTAACGTTCTTACTTAACCAAACACGGAATTATCAGGCGAACTCCTTCTGGTTTTTCATTCCGTCTTAAT  
GAGAAGATTAAGTAATTGTTCCACGCAGGGAATGAGTTAACAGAAGAAAGAAGCGGAATGAGTTCCACACC  
CTTAGAAGTCTCACTACCCTCCAGCTTCAGATAGAGAAAAAGAGGGATTGCTCCCCAAGGACTCAGTCACTC  
CCCCCAAAGCATTCAAAATTCAGTCGGTCCTCTCCCCCTA

>trans\_c\_6517 U81163|Prunus persica auxin-binding protein (ABP19) gene, complete cds

TCACAAGGCCCTCCTGTCATGATTCCGGTGAGGTTTGAAGTGTTACCAGCAAACACAAGACCCGAATAAACA  
AAGTCTTTTTCTGTGACAAGGGATGCCTTCTTGAAGGGAAGCCAGAAGGGGTATCAGGAGACTTGAGGTGCG

GCGACGCAAAAGTCTTTCTGTTCTCGCAGCCTTCCCTCCTTTCTTTTCACCTCTGACTATGAAATACGAATG  
CCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAG

>trans\_c\_6518 AY023801|Oryza sativa microsatellite MRG6126 containing (ATAA)X9, genomic  
sequence

ATTTGATTTCTAAATCCCTTTTCTTCTCCTCCTCTTCTTCTTCTTCTTCTCCTACTTGTTTATGTATATGAACT  
TTTTGGAGCATTCGGTGTATGATCGGTACTTTGCAATTTTTTTTTTTATTTTGCTCTTATGAACTTAGTAACTAAT  
CCTCCACTGACTTGGGATTGAATCTTGTACTTTTTAGTTAATGTTATATTTTACTTATTTTCATATTTTGGGCTC  
TATGTTTGATATCTATAATCATTTTGGGCG

>trans\_c\_6519 XM\_002891136|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata diene lactone hydrolase family  
protein, mRNA

CAGTCAAGAACAATAATGGAAGTCTATTCTTCTCTTGTCCGATCTCTTGCCTTTCAAGATTCTTCCATTAGAG  
ACTTTGCTTATCGTCTCGCTTGCAATGGCTTCAATGTCTTACTTCCAGATTTAGTTAACGAAGATCCATGGGAG  
AAACCGCCAGCTCAACACTCTGCAAAACAAGAGATGCAGAGGATTGCAGAAGACATAGGAACAGTAACAAAA  
TGGTTGACCGACAGACCCCTGATAATGGGCTCTCAAAA

>trans\_c\_6520 GQ998554|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 ribosomal protein L2 (rpl2)  
gene, complete cds; chloroplast

GCGACCCCAGGTCTAGAGCAGCAGGTGCTGTGCGGAACTGATTGCAAAAGAGGGGAAATCGGCCACATTA  
AAATTACCTTCTGGGGAGGTCCGTTTGATATCCAAAATTGCTCAGCAACAGTCGGACAAGTGGGGAATGCTG  
GGGTAAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGATCTAAATGTTGGCTAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGA  
GTAGTTATGAACCCTGTAGACCGCTTTGACCCCCACCAAGTTCC

>trans\_c\_6521 FJ949586|Triticum turgidum subsp. durum x Secale cereale isolate OLTIMA127  
omega secalin (sec-1) pseudogene, complete sequence

TCATCTTTTTCCCATTTCCGTTTCTTAAGGACTGGGAGCTGCCACTTTGTTTTCAATCCACAATAATCATTATGG  
CCACCCAACTCTTGATTCCCATCAAATTCTACAACCGATGAGGAAACGGAGAAGATCAACAGTGAATCAGT  
AAAAGTAGCGGAGCAAATACATTTCTTCCACACAAGAACTGTAGAAGATGACAGGGAGAAAGGTAGGGC  
TGACAACCTACATGTTCCAAATAGTACTTGTGATGTGC

>trans\_c\_6522 FJ796907|Pourthiaea beauverdiana internal transcribed spacer 1, partial sequence;  
5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GTTCCCCTTAGGCTGACAAATATTAACAAAGCATTGCGCTACCAGGGACGCCTACGCGTTTAGTGGTAAAA  
CCCTAGCCTTCCAAGCTAACGATGCGGGTTGATTCCCGCTATCCGCTTTAACAACGACTCTCGGCAACGGATA  
TCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGGTACGCCGTACGTCAGGGCGTCGCGCCAATTAATGACAACTCGAAT  
CTCTATTTTTATATTTCTATAGCGGGGCGGTCACTATA

>trans\_c\_6523 HQ448762|Hemitomes congestum voucher Bidartondo s.n. 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

TCAAAACGGGGTCGCCCCGATCTTATCTATTTTCTATTTTGAAATACTTCTAATTGATTTCTCAGATATCATGT  
TTACGTATGTATAATCGCTTATGTTTGGAGTAAGCCACATGTTAGATTCTAGTCTACTAAATAGATAGCTGTGT

TATCGTCAAAGTCTAAGTTTTTCCCCTCCCCCTGGGAGACTGCGCAAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGT  
TAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATA

>trans\_c\_6524 GU320195|Nicotiana tabacum cultivar Turk ankyrin repeat-containing protein  
mRNA, complete cds

AGCAGCTGGTGCGAACAAAGGATGAAGAAGATTCGGAGGGAAGGACTGCATTGCATTTTGCATGCGGGTATG  
GTGAGGCTAAGTGCCTCAGATCCTTCTTGAAGCTGGAGTGAAGGTGGATGCACTGGATAAGAATAAGAATA  
CTGCACTTCATTATGCAGCTGGTTATGGCAGAAAGGAGTGTGTTGCACTATTGCTTGAGAATGGCGCCGCAGT  
CACTCTCCAAAGTCCAGATGGAAAGACTCCCATCGAACAAACCC

>trans\_c\_6525 XM\_001702585|Chlamydomonas reinhardtii basal body protein (BLD10) mRNA,  
complete cds

TCCCCCGGACTTCTCCTTCGTCTTCTCTCTCCTTTCTTCTTCTGATAAGAAGATATATATAAGTAGTCAAGTCA  
ACTCCTCTCAACTCCTACTCCGCCTTGTTCAATTGATCTTCTCATGAACTGGAAGTCTGATTCTAGGTCCGTGGT  
AGTTTCAAGTCAAGACGGTAAAGCAGCTTTCTATGATAACCTCTCCGCCAAGTACCAGTCGAGCATATTCTAAC  
CTTCTTTCTGGGTCTTGGTCAGGAAGATGCAGAT

>trans\_c\_6526 Novel Gene

GTGGAGAGGAGAGGAAATTAAGTATAGTTGTAAGTAGATTAAAGAAAAATGCTGAAGTCTCATCATGTGTCT  
TCCAATTCCAGTTTAGAGGCTGCAGTGTGTTGTAAACCCAAAGCTATTTCTTTGAGTAATGCAAAGACGACTTT  
GCTTCCAGTAAGATGGGAGGGTGGGAGACAAAATGCAAAGTCTCATCGTCTACGCTTGGCCGGGCGGCCTGC  
CACCGTATAGTTTCGGTCAAGGCAACGGTCAAGTTGCCAGA

>trans\_c\_6527 M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
1-2

TCCTAGCCGCCCTCTCCGCCCCAATCCACTCAAACAACAATCAAACTACAATCAAAAATCAGACTCGTTAGTTT  
ATTGTATTCTTTTTTGTCTAGTTTTGTTGCTTGGTCGTCAGTGCAGCCTGCCTGTTGAAGACCGTAACGTAAGT  
AACTCAGTGCTCTATACGGGGGAAATGAAAGCAGAATTCGTTGCGATCCTCCACATCCATCCACATGTTCA  
ATCTTTTTTTAGCGGTTTTCCACCTGAAAAAAGC

>trans\_c\_6528 AF109917|Picea glauca glycine-rich RNA-binding protein (RNP) mRNA, complete cds

CACCTTCCTTCTCATTTCATGGCTTCCTCCTCTGTTGAGTACCGTTGCTTTGTGGGTGGGGAACGAACCCGGT  
GTGATAGTAATGCCTTAGAGAAGGCTTCTCTCCATTTGGTGATATCGTTGAAGCCAAGATCGTTAGCGATCG  
TGAAACCGGAAGGTCGAGAGGATTTGGATTCTGACGTTTTCCGAGGAGGATGCCATGAGAAGTGCTATTGA  
AGCAATGAATGGTCATATTCTTGACGGACACGGCGCCG

>trans\_c\_6529 NM\_001055214|Oryza sativa Japonica Group Os03g0105600 (Os03g0105600)  
mRNA, complete cds

GAGATTCCTGGGACAACCTCAACTCCGATCTCAGAAAGCTAGCCGTTAATCTCATTCCATTCCCTCGTCTCCACTT  
TTTCATGGTGGGTTTTGCTCCACTCACTTCCCGTGGATCTCAGCAATACAGAGCTCTTACAGTACCTGAGCTCA  
CTCAGCAAATGTGGGATGCTAAGAACATGATGTGTGCTGCTGACCCACGACACGGACGCTACTTAACCGCCTC  
TGCTATGGGGCTCTTCTCGTCTGCATATCGAAAC

>trans\_c\_6530 NM\_001058828|Oryza sativa Japonica Group Os04g0234600 (Os04g0234600)  
mRNA, complete cds

GAGATACACAGGAGGAATGGTTCCTGACGTCAACCAGATTATTGTGAAAGAGAAGGGGATTTTACAAACGT  
GACATCTCCCTCAACTAAAGCTAAGCTGAGGCTGTTATTTGAGGTAGCTCCTTTGGGATTCTTAGTGAGAAA  
GCAGGAGGTTACAGCAGTGATGGGCGTCGGTCTGTTCTCGACAAGGTGATCGAGAATCTTGACAGGGAGGTT  
TGGACCATGCGCAAACCTCGGGAGGAGAGCTGCCTACCCCAA

>trans\_c\_6531 AY465566|Strelitzia reginae photosystem II CP47 protein (psbB) gene, partial cds;  
photosystem II subunit T (psbT) and photosystem II subunit N (psbN) genes, complete cds; and  
photosystem II subunit H (psbH) gene, partial cds; chloroplast

AAACACCGAAGTGTTCACCCCCGAGAGAGAGAGAAGGGCGCGAACTTTTTGTACGCCGTATGCCGACCTTTT  
TTGAAACATTTCCGGTTGTTTTGGTAGACGGAGACGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCTTTTCGAAGAGCAGA  
ATCGAAGTATAGTGTGAACAGGTCGGTGTAAGTGTGAGTTCTATGGCGGTGAAGTCAATGGAGTCAGTTAT  
AGTGATCCTGCTACTGTGAAAAACGCGTAGCTGTACACT

>trans\_c\_6532 AF387795|Cucumis melo transcription factor (EIN3) mRNA, partial cds

CATCAAGCATATGTCCCCTGATATAGCCAAGATCCGCAAGCTTGTTAGACAATCCAAGTGTTCAGGACAAG  
ATGACTGCCAAGGAGAGTGCTACATGGCTTGCTATTATCAACCAAGAGGAGATCTTGGCCCGAGAGCTTTATC  
CTGATTCTTGCCCGCTTTGTCTTCTGGTGGGGGCAAGTGGGTCGTTGGTCATTAACGATTGTAGTGAATATGAT  
GTAGAAGGCGCTGAGGAAGAAGGGGTAGAGAAAATACC

>trans\_c\_6533 GQ998717|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 16S ribosomal RNA (rrn16)  
gene, complete sequence; chloroplast

TCCGAAGTGAAGTGGTTTTATGGGATTTGCTACACCTCGCGGCTTCGCTGCCCTTTGTACCATCCATTGTAGC  
ACGTGTGTAGCCCAGGTCATAAGGGGCATGATGATTTGACGTCATCCCCACCTTCCTCCGTTTGTACCCGGC  
AGTCACCTTAGAGTGCCCAACTTAATTGGGGCAACTAAACACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCA  
ACACCTTACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCACCAC

>trans\_c\_6534 Novel Gene

GGGGGCCTAGACTTCCCCTGGGGGTAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGA  
ATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCGAGCGGTGCGCAAAAGTAAGTCTGCCCGGATGGGGCAATATGTCTAC  
GCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACACGCCTTGTAAGGACCATAAAATGATATAACCTATTTGTCCTTCTAC  
AGAAATACTTGATATGAAAGAATAAGCTTTCCTTAGCT

>trans\_c\_6535 EF469873|Helianthus annuus RFLP probe ZVG14 mRNA sequence

CCAGTATTCTTTCTTTTCAGATGCGAGCCAGTGGAGATCCATATTTACAACATTGTGTGGAAACAGCGATGCTT  
CTTGCTACAATCGGTGCAAATTCACGGTGGTCGCCGCGGGGCTTCTACACGATGCGCTTGATGATTCTTTTAC  
GTGTTATGACTACATTTTAGGGTCAGTTGGAGCTGGGGTTGCTGATTTAGTTGAAGAGGTGAGGATACTTTT  
CTTGCTTGATTGATGAGGCACTCACCGACAGAAACC

>trans\_c\_6536 GQ998803|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C cytochrome c heme attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

CATACGCGAACAAATAAAAAATTTGAAGGTGTAAATTCCGCAATTGTGGCCTCTATGGGTTTTCTTATAATTTG  
GATATGCTATTTTGGGGTCAATCTATTAGGGATAGGGCTACATAGTTATGGTTCATTTACATTAACATCTAATT  
GAATTCATTCACCTCCCTTTAAGTCATCCACCCCACGTTCTTTTGCATGACACTTTCCCCAAATGATCGACGCTG  
ATTATACTATGCTGGTGTTTTTTTATCACGCTTT

>trans\_c\_6537 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

CGGGATTCTCTAAAACTCTAAAAAAAAGAAGGGGGAAGGGGATTAGTCAAAGATATTTGATTGTTTTAGATT  
ATCCTCTCACCTCCTTCAAGTCAATAACTAGAATGAAAAAACGGGAATACCAACGCATCCGGAATAAACG  
ATTGATCTCGTAATTATCTGGGCGATTTCTGGGGCTTGGATGACATTCAGCAGTTGTCATGGGTACCCTGTGCG  
GTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTC

>trans\_c\_6538 AF393582|Chaetosphaeridium globosum SAG 26.98 large subunit ribosomal RNA  
(rrl) gene, complete sequence; chloroplast gene for chloroplast product

TACGTGAGCTGGGTTCAGAACGTCGTGAGACAGTTCGGTCCCTATCTGCCGTGGGCGCTGGAGAATTGAGGG  
GGGCTGCTCCTAGTACGAGAGGACCGGAGTGGACGCATCACTGGTGTTCGGGTTGTCATGCCAATGGCATTG  
CCCGGTAGCTAAATGCGGAAGAGATAAGTGCTGAAAGCATAGCCTACATCCCAGGTCAAGATGAACTTCCC  
ATCACTTCGAGTGAGTAAGATCCCTCAGAGACTCTGAGGTT

>trans\_c\_6539 DQ069647|Typha latifolia photosystem II 44 kDa protein (psbC) gene, partial cds;  
chloroplast

CTACCTATAGGTGCTTTTCTTCTAGTATTCAAAGCTCTTTATTTTGGGGGTGTATATGATACCTGGGCCCCGGG  
GGGGGGAGATGTAAGAAAAATTACCAACTTGACCCTTAGCCCAAGTGTTATATTTGGTTATTTACTAAAATCTC  
CTTTTGGCGGAGAAGGATGGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAGTTGGGGGACATGTATGGTTAG  
GTTCCCGGGTGCGCAGGTTGTTCCGGGTTACGCGAG

>trans\_c\_6540 X57163|T.aestivum nad4 mRNA for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

GCGGCGTATTCCCTTTGGCTATATAATCGTGTGGTTTCTGGAAATTGCAAACCCGATTTCTCCATAAATTCTCC  
GATCTAAATGGCAGAGAAGTTTTCATATTTATACCTTTTCTTGTTGGAGTTGTTTGGATGGGTGTTTACCCAA  
AGTGTTCTGGACTIONTACATGCATACATCCGTAAGTAAGTACTAGTGCAACATGGCAAATTTATTGAGAGGAATCA  
GTAAAGAAAAGAAAAAGGGGAGGCCTTTTTACCT

>trans\_c\_6541 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GGGTGAGACTGCTCTGAGGGACTGTTACGTGTTCTGGTCTCTTCCCCATTACTTAGAAAAAGTGAGCCACCGG  
TTCAGGTACAAGATACTATCATTACCGCCTGGACAATTAGACATCCAACCCGTAATCGCAACGACCCAATTGCA  
AGAGCGGAGCTCTACCAACTGAGCTATATCCCCCGAGCCAAGTGGGGCCTGCATGAAGGAGTCAGATGCTT  
CTTCTATTCTTTTATTCTTTTCTTGGCGTAGCTGGG

>trans\_c\_6542 HM370495|Gossypium hirsutum S-adenosylmethionine synthetase (SAMS) mRNA,  
complete cds

AATAGCCCCGCGGTCCTAAAGAGGAAAACATTCTTCTCACAAAAAACTAACTGTTGGTCCACCGTTACCGT  
CTAAGAACTTCTGACGACGTATACCTGTGTTTGGGAAGGGACGACCCAGATTTACCTGGGAACTGTGAAGCC



ACTCAAGTGGGAGAAGCCTCAATCTTAAATCGGATAGGATTCGGTTGGTGGTCTCTAATTCCTTACAATTCAAT  
ATCTGGGATTGTTGTTACTTCCTCGCAGGCAGCCCC

>trans\_c\_6543 XM\_002313176|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE912),  
mRNA

TTTGCAGGTTCCAAATTCGTTTGAAGTTGGGAATCTGAAGAAGACTTGCCTCAAATCTTGAACAAATTGATG  
AAGCAGAAGTATGGGTTGATCTTTAACAACCGGTGGATGTGGTTGGGTTGGTCTTCATGACTATTATGATA  
TTATTAAGCATCCAATGGATTTAGGGACTGTGAAATCTACACTGTCTAAGAATTTATACGACTCACCTTTGGAT  
TTTGCTGACTCACTTACAGATGTCTTTGACAACATT

>trans\_c\_6544 HM640761|Bulbine semibarbata voucher K Dixon, s.n. (KPBG) 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

AGTAAGAAATCATGGAACCAGATGAGGATCCCGACCAGAAAAATCCCCCTAAACCAAATCGCTCCAGTGTAG  
AAACGAATCGGCAGCGGAATTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCGGGGG  
TTCTGTGACGCATTACAGGAAGCGACCGGTGTTTCTTTTTCACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCGACT  
GTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAAC

>trans\_c\_6545 GQ998726|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase  
CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

GAAATAGCTACATCTCCTTTAGATAACATTTGAAAGTTCTAAAATTTATTTATACTTTACTTGTTTTCTTTATAC  
TTGGTCTTGAAGTAGAAAACGTTCCATCTGTTCTGAATAGCTTCTTTCAAAGGGCTTCCGCTTCATTGGTCA  
ATGTCTTCGTAGAAGAGATTATTTCTGAAACTGAGGTTTATTCGTTTTTACGTGGACGCGGCCCTCAACAAGA  
AATTCCTTACTTGTTCAATTTCTAATGAAT

>trans\_c\_6546 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

AATCGCCGGGGTAGCAAAATGCTCTGATTCAAAGGCATCTGGCCGGGTGGTACATTATTCGAGTCACTGGTTG  
TCGTATGATTGTACAACCACTTCTTTCTCCTTCAAGTGACTGTTGTTCCGTCTTATATATGGGACGATTATAAT  
GAGTCAAAATTCTCAAAATCTCACCACATGCCAGAGCCCACTGTTCAGAATAATCATGCTCTGTGTCTGGGCAG  
AATAAGGATATGAAAGACGAAAAGGGAGAACCA

>trans\_c\_6547 GQ983593|Triplostegia glandulifera 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGAAGCTAGAGGTGTCAGAAAAGTTACCACAGGGATAACTGGCTTGTGGCAGCCAAGCGTTCATAGCGACGT  
TGCTTTTTGATCCTTCGATGTCGGAGAGGAAGCGACGGTTGAAGCAGAATTCACCAAGTGTGGATTGTTAC  
CCACCAATAGGGAACGTGAGCTGGGGTTAGACCGTCGTGAGACAGGTTAGTTTTACCCTACTGATGACAGTG  
TCGCAATAGTAATTCAACCTAGTACGAGAGGAACCGTT

>trans\_c\_6548 U04314|Mesembryanthemum crystallinum chloroplast cytochrome b-559 alpha  
subunit (psbE), cytochrome b-559 beta subunit (psbF), and photosystem II polypeptide (psbL) mRNA,  
complete cds

ACAGTGCACAAGAATATGTGGAGCTCGGCATGTCTGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATCAC  
CAGTATTCGATACTGGGTCATTCATAGCATTACTATACCTTCTTATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCAC  
GGGTTTAGCTTACGATACGGGGTTCCTAACTCGTCCAAATGAGTATTTTACAGAGAGCCGACAAGGAATTCCA  
TTAATAACTGGCCGTTTTGATTCTTTGGAACAAC

>trans\_c\_6549 AY968400|Schizopepon bryoniifolius 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

GAGCACTACCAAAGTTTTTCAAAGAAGGGGTTATCCTGACGTAGGTATGCTTCTGACCTAGATCAACTTAAGTT  
AAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAACTTCATACACCTTAAAGTTGTTCAAT  
CCGTCAATTCCTTTAAGTTTCAGCCTTGCGACCATACTCCCCCGGAACCCAAAGACTTTGATTCTCATAAGGT  
GCTGGCGGAGTCCTTAAAGCAACATCCGCG

>trans\_c\_6550 AY346377|Nicotiana tabacum cultivar SR1 RSH2 mRNA, complete cds

AGCTTTTCCGGTTGTGGAGAGGAATTGGGATCGTTGTGGCATGATAGAGGGGAGGAATTGAGTAGCTCATTT  
CGATATTCTTCGAGCAAATATTTAGGGTCTTCACTGGCAAGGGATTCTAGCCCGGTATCAGTGTCCAGGGAC  
CGGTTTCGTGCTGTAGTAGCGGAGTTGGTTTCGTGCGCAAAAAGCCCTCCGATTTCTAGAGAGAAGAG  
TGGGGAATCTAATTTCCAGAGCTCGATTGGAGTTGG

>trans\_c\_6551 XM\_002881011|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-7 chain (TUB7), mRNA

GCACACTCGCTCGTTAAGTGACGCCATGTTTAGACGAAAAGCCTTCTTGCATTGGTACACAGGAGAAGGAATG  
GACGAGATGGAGTTCACTGAAGCTGAAAGTAACATGAATGATCTTGTCTGAGTACCAGCAGTACCAAGAC  
GCCACAGCCGAAGATGAGTATTACGAAGAAGAAGATGATGACGTTGAAGATAATGTGTAAGAAGAAGATAG  
TATAATGATGGGGCCCCGCACCGCTACAAACCTCAAGG

>trans\_c\_6552 NM\_001057051|Oryza sativa Japonica Group Os03g0569900 (Os03g0569900)  
mRNA, partial cds

ATCCAGTACTGCAAATCTCCGATCCAGAGCGTACGAACCTCATCCCCGTTGGCAGGTTGAGGGGGTTGGCCCT  
GTGGGGAACCGCCTGTGGCTGCTGAGGCCACATCTGAGGGACAGGCTGGGCTTGCGGGGGCTGAGGCTGC  
ATCATCATGTAAGGAGGTTGCTGTTGTTGGTACTGAGGGGCCTGGTGAGGCATGTTGTGAGGAGCAACAGGT  
ATTCACTTTCGCCTTCGGCTCCCACTTATCCTACA

>trans\_c\_6553 EU164989|Agathis alba 16S small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

ATAGGTTTGGTCCTAGCCTTTCTATTAGCTCTTAGTAAGATTACACATGCAAGCATCCCCATTCCAGTGAGTTCA  
CCCTCTAAATCACCACGATCAAAAGGGACAAGCATCAAGCACGCAGCAATGCAGCTCAAAACGCTTAGCCTAG  
CCACACCCCCACGGGAAACAGCAGTGATTAACCTTTAGCAATAAACGAAAGTTTAACTAAGCTATACTAACCC  
CAGGGTTGTGACAAAAGCACGGTAGGTGCGCG

>trans\_c\_6554 AF377996|Cercidiphyllum japonicum PSI P700 apoprotein A1 (PsaA) and Ycf3 (Ycf3)  
genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

AATAGCTATTATTTAGCTAGTATTAGTTAGAAATTTGGATATTTTTATATTTGTTATAATTCTTTGTTGTCCGC  
ATCAGGCAAATCAAAGGGATAATTTCTCAGTGAAGAACCAATCAAGGAATTTCAATTATATCCCTTCTAATCTAA  
GATCCTTCAATTTTTTTTGGTATTTTGTAGGGGTAAACGATACAGAGATACATTAGAATTAGAGAATGTATTTT  
ATATATTTTTAGATGCCTCGCACGGCCAC

>trans\_c\_6555 AB037114|Malus x domestica ap20ox gene for gibberellin 20-oxidase, complete cds

GTTACGGCCTGCCCCATTCCAAGTAGAGAGTTGGGCCTTGGGCTTCGAGCGAAGGCTTGGAGTTCATCGCCAC  
TAGAGATGGAGGAAACCGCGTGAGGCTGGTCTGTGAGATGATACCACCCCCGCTTCTGTGCGGTGAAAGAG

CGGTAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAATATACCCGATGGGTAGGCCTCTGTCTAACCAACCACCATTTAAAGA  
GACCTCTTGTGTGTCGAGCGAACGTCAAACCTACTT

>trans\_c\_6556 M88258|Arabidopsis thaliana

GAATTAATGTTATTAGCTGTGAATTTGAACTTTTTGGTATTTTCCGTTTCTTTGGATGATATGATGGGTCAATTA  
TTTGCTTTATTGGTTCTAACGGTGGCAGCTGCGGAATCCGCTATTGGGTTAGCCATTTTCGTTATTACTTTCCGA  
GTCCGAGGGACTATTGCAGTAGAATTTCTTAATAGCATTCTAGGTTAAACATCACTCCTAGAGAATTACCAAAA  
CGTTGAGTTCGAATCCATCCCGAACTTGG

>trans\_c\_6557 AF346305|Elaeagnus umbellata S-adenosyl-L-methionine synthetase (SAMS1)  
mRNA, complete cds

AGGAGAACTTCGACTTCAGGCCGGGAATGATCACCATCAACCTTGATCTAAAGAGGGGTGGCAATGGCAGAT  
TCTTGAAGACTGCTGCATATGGACACTTTGGAAGGGACGACCCAGATTTACCTGGGAAACTGTGAAGCCACT  
CAAGTGGGAGAAGCCTCAATCTTAAATCGGATAGGATTCGGTTGGTGGTCTCTAATTCCTTACAATTCAATATC  
TGGGATTGTTGTTACTTCCTCCGTCGCCAGCCCC

>trans\_c\_6558 NM\_126764|Arabidopsis thaliana ribosomal protein S4 (RPS4) (AT2G07734) mRNA,  
complete cds

TCGACCTATTGCTCCGCATCCCCCATCAGTTTACTATGAAGAGCAAAATCAAAGTCTCTCACTACCTACTCAT  
TATTTGGAGGTGAATTATAGAACTAAAAGCTGTGGTATTTTATGGACCTAACATAGGTCACATCCCTCACGA  
CATAAGATTGAAAGATCTAAACCTTCTTCTTTGGAGCGGAAACGGACGTGGCCAAAACATATAAAGATCGGCT  
CGCTCATAGGGACATATCTATCCGCTCTTG

>trans\_c\_6559 NM\_001111970|Zea mays Alpha-tubulin 3 (TUBA3), mRNA emb|X63176.1| Z.mays  
mRNA for alpha-tubulin 3

GTTTCGCGTTTCAACCCAACCACTGGAATTCGTTAACATCCACGTTCAATGCACCATCAAACCTCAAACCTGGCA  
GTTAAAGAGGAAATGACCTGAGATACAAGACGGTTGAGGTTGAGTAGTTGGGTGCTCAATGTGCGAGGGA  
GCGCCTGCAAATATCATAGATGGCTTCATTTGAACAGGGTCCCCTAAAACCAACAAGGGGTAGTACAGGAAT  
ATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTTTCGGCC

>trans\_c\_6560 EU982507|Panicum virgatum strain 1186 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGTCGAGCCGATCCGAACTGAGAATGGTTTTATGGGATTTGCTACACCTCGCGGCTTCGCTGCCCTTTGTACCA  
TCCATTGTAGCACGTGTGTAGCCAGGTCATAAGGGGCATGATGATTTGACGTCATCCCCACCTTCCTCCGGTT  
TGTCACCGGCAGTCACCTTAGAGTGCCCACTGAATGCTGGCAACTAAGATCAAGGGTTGCGCTCGTTGCGG  
GACTTAACCCAACATCTCACGACACGAGCTGA

>trans\_c\_6561 AY148193|Synthetic construct thioredoxin/transketolase fusion protein gene,  
complete cds

TATGTTGCAGTATGCTCTGCTTCATCTTGCTGGATACGACAGTGTGAGGGAGGAGGACTTGAAGAGCTTCCGT  
CAGTGGGGAAGTCGAACGCCTGGACATCCGGAGAACTTTGAGACTCCTGGTGTTGAGGTTACAACTGGTCCT  
CTTGACAGGGAATTGCAAATGCTGTTGGTCTGGCCCTTGCTGAGAAACACTTGGCTGCTCGGTTTAACAAAC  
CAGACAGTGAGGTTGTCGACCACTACACATATGT

>trans\_c\_6562 Novel Gene

CCCCCTTCTTTCTTCTACTGAAAGTAGGCTTGATGATAATAGTAGAATAATCGGATATTTGAGTAGATAATCAA  
GAAAATATGGAAGAAGACGGAGCGGGAAGAAGAAGATCAGACTGCTCCTACTCAGCCTCCGTAGTTTCATCT  
AAGAGTTCGCAAAGTCTTTGACTTGATTCTCAATGAGACCACTAAAAGCCTTCTACGCCATAAATCAGTCATAC  
GAAAGGCTTTCAAGGAATTTTCGTTTCCAAGA

>trans\_c\_6563 GU397098|*Begonia johnstonii* voucher Royal Botanic Garden Edinburgh 19990653  
tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCAGCAGTTATTTAGGGTAATAGCATAGGG  
GTCAAGTTTAGTTTTTTTAAATGGAGGAATTTAAAGGATATTTAGAACTTGAGAAATCTCGGCAACGTGACTTC  
CTATACCCACTTATCTTCGGGAGTATATTTACGCATTTTCTCATGATCATTTTTTATTACCTAATGCCAGACAA  
GTCGGGATACTCCTAACGATTCTTACCA

>trans\_c\_6564 AY177420|*Citrus aurantium* 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TAGTAGCAAATACTCAAATGAGAACTTTGAGGACTGAAGTGGGGAAAGGTTCCATGTGAACGGCACTTGACAC  
ATGGGTTAGTCGATCCTAAGAGACGGGGGAAACCCAGAGACGAGTATCAAGCGCGAACTTCGAAAGGGAA  
TCGGGTAAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACGTAAGGGATTCCGGAGACGTGCGCGGG  
GGCCTCGGGAAGAGTTATCTTTTCTGTTTAACAGCCT

>trans\_c\_6565 Novel Gene

TACGCAAACGGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGTGTCAGTGATGCTCAGATGACAAACGTGCGTTGCTGAGA  
TCTGATCTATGATGTTAATTAACGCAAACGGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCAGTCTGATGCTCAGATGAC  
AAACGTGCGTTGCTGAGATCTGATCTATGATGTTATGATCTATGATGTTAATTAACGCAAACGGTGATGGCAA  
GGGTTTCATCACAGCAGTCTGATGCTCAGATGT

>trans\_c\_6566 GQ998790|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal  
RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

ATAGTCGAGGAAAACAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTGGCACCTCGATGTCGGCTCTTCGCCACCTGG  
GGCTGTAGTATGTTCCAAGGGTTGGGCTGTTGCCCCATTAAAGCGGTACGTGAGCTGGGTTCAGAACGTCGT  
GAGACAGTTCCGTCCATATCCGGTGTGGGCGTTAGAGCATTGAGAGGACCTTCCCTAGTACGAGAGGACCG  
GGAAGGACGCACCTCTGGTGTACCAAGTGCATGT

>trans\_c\_6567 Novel Gene

CCACTGCCTTGATCCACTTGCTACATCCGCCCCCTACCCTATATATATATATAATATAATATATATGCAAAGTT  
ATGTAAATTTTTTTTTTTTAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGCTCCTTTT  
GAAAGTTCTTGAGCATATGTGTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTC  
TAGAGGGAAGTTGTGAGCATTACGTTT

>trans\_c\_6568 HM067359|*Dimocarpus longan* s-adenosylmethionine synthetase-like mRNA,  
complete sequence

GCAGGTAAACATGGTTGAGACCTGACGGTAAGACCCAAGTTACTGTGGAGTACTACAATGACAATGGTGCTA  
TGGTCCCTGTTTCGAGTCCACACAGTGCTCATCTCCACCCAGCATGATGAAACTGTCACGAACGATGAGATTGC

AGCTGATCTTAAGGAGCATGTACGACCTAAGTGAAACCGACACAGGTGGGTAGGTAGAGAATACCTAGGGG  
CGCGAGACAACTCTCTAAGGAACTCGGCAGGG

>trans\_c\_6569 AP009373|*Draba nemorosa* chloroplast DNA, complete sequence

TCATAGCATTAAAGAAGTTTGAACTTTTTAGTACACATATCCGTTACGAGCGGTATTTGGGTGTTTCTGTTTGA  
GCCGTACGAGACGAAATTCTCATATACGGTTCTCAGAGGGGGGTCCCCTTGTTTACCTATCTCAATAAAGTG  
TATGATTGGTTTGAAGAAGCTCTTGAATTACAGGCGATTGCATCGAGGCAAACCTCTGAATACTAGATATGATC  
TCAAAATAACAGGGGTCAAGGTCGGCTGTC

>trans\_c\_6570 AF110229|*Spinacia oleracea* nuclear RNA binding protein B (RggB) mRNA, partial cds

GGTGGTTTTTATAATGGAGATACTGATGATGGTGAACGCCCTCGTGGTGTATTTGAACGGCACAGTGGAAC  
GGTCGTGGAAATGAATTCAAGCGTGAAGGGTCTGGGCGTGGGAACTGGGGAAGGTGCAGTTACGAATTTCTT  
GAGGTTGCTGAGGAAGCTAATGAATCCCAGAAGTTAGGTGATGAGAAGCCTGTTACGAGGATGGTACTGCA  
GGTGTCAACACAGAGAACACTGCAAAAAGAATCGG

>trans\_c\_6571 GU799537|*Melancium campestre* voucher G.F. Pabst et al. 8741 (M) ribulose-1,5-  
bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

TAGTGGTACATGGACACAGTGTGTTCAATCGTTTAGGCAACTGAGGTGATGGCACCCCTTCATCGCGCTATGG  
AATCGAGCCTGTTGCTGGAGAAGAAAAATCAATATATTGCTTATGTAGCTTATCCCCTAGACCTTTTTGAAGAAG  
GTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCCATTGTGGGTAATGTATTTGGATTCAAGGCTCTACGTGCTCTACGTCTGG  
AGAGCCCATAGGCTTTCGTTATCATATA

>trans\_c\_6572 NM\_001074279|*Oryza sativa Japonica Group* Os11g0306300 (Os11g0306300)  
mRNA, complete cds

AGCTGCTAGTAGTACGATACCATATGAAGTAGTCATCCGATCATTGGCTGTGTCAGCAGACTTAAACCCTAAT  
GCCAGCACTCAGACACACCCGTCAACTACAATATAAAAACTTGCTTGGACAACTCGGATGCTAAAAAACCT  
AGTTAGAACATGTAATATCACATAAACATCCAAAACCCACCGGTCAACGTCACCAAACACGACCCTTTTACGAC  
ACTATTTACATTCAACCGCCGTCGTAGCCG

>trans\_c\_6573 HM066935|*Nicotiana tabacum* transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,  
complete sequence

CTTGGGCCCCAATAATACCCGATAGGTAGGCCTCTGACTGACAACCACTTTTTTGGGAGAACTCCACCTGAG  
ATATCACATTGTTTCGAGGAACCCTAGATGCTGTCGGAGTAAAGGATCGTCAACAAGGGCGTTCTAGTGCCTG  
TAGATTCTTATCCAAGACTTGTATCATTTGATGATGCCATGTGAATCGCTAGAAACATGTGAAGTGTATGGCTA  
ACCAATAACAGGGACCCTACGGAAAGGTC

>trans\_c\_6574 GU397114|*Begonia thomeana* voucher Glasgow Botanic Garden 05407997 tRNA-Lys  
(trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GATGGGGCTTATGTTCTTAATTTGAATGATTGCGCGATCTAATTAGACGTTAAACTATATTAGTGCTTGATGC  
GGGAAGGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATTTTTTCTAAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGG  
TAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATAAAGAGTTTTTTTCCAAAATCAAAAGAGCGATTGGGT  
TGAAAAAAGGGGAAGCCCTCGGTTGCCT

>trans\_c\_6575 HQ454500|Hevea brasiliensis calmodulin (CAM1) mRNA, complete cds

TATGAGATCACTAGGCCAAAATCCAACGGAAGCGGAACTGCAAGACATGATCAATGAGGTGGATGCTGATGG  
AAATGGAACAATCGACTTTCAGAGTTCCTAAACCTCATGGCGAGGAAGATGAAGGATACGGACTCAGAGGA  
AGAGTTGAAAGAAGCATTCCGTGTGTTGATAAGGATCAGAATGGCTTCATCTCCGCTGCTGAGCTTCTAACG  
TGTCGTGTGGGCTCCATATCTCCAGTCACTC

>trans\_c\_6576 Novel Gene

TATGCTCATTCAAATCTCAAAACCTTATTTACAACATATCATCAAATCCAAATGCAGGCCGCTGTTCTTAGCA  
TTGCTGTTCTTCCCTTCTTCCCAGCTCAACACTTTCCAATAGTAGCCATTCTCATTTCCCTTTCATCACATTTGGT  
TCTAACTCATCACGTCGCTCGGCCATCAAAGCAACCGCTCGGTGCTCTATGACACATCTGTAGTTGATGCGCT  
AGAGTGATAGAGCCACAAAGTGA

>trans\_c\_6577 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TGCTTGTTCCCCCTTCTTCTTACCATGGCAAGTCTTTGTGAAATAACTCCGATGAGAAGAAAAAGAAGGCG  
TTAAGAAACCCTCCTGGCCCAACCCTAGACACTCTAAGATCCTTTTCAAATCTCCTGATACTTTGATTTTTTACG  
TTTTCGCAAACATTATCATGGATTACGTACAGCGTATATAGCTTTATTTGAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCAT  
CGCAATGCTTTGTTTTAATTGTTTC

>trans\_c\_6578 HM772998|Ipomoea nil chloroplast LHCII type I chlorophyll a-b binding precursor  
protein (Lhcb1) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

CAGCAGTTTGAGAAACCTTCGCTGAGTTGAAGGTAAAGGAGCTGAAGAATGGAAGGTTGGCTATGTTCTCCA  
TGTTTGATTCTTCGTTCAAGCTATCGTCACCGGAAAGGGTCCACTAGAGAATCTTGCTGACCATCTTGCTGAC  
CCAGTCAACAACAATGCTTGGGCCTACGCTACAACTTTGTTCTGGAAAGTGAGAAATACGTAGAAAGAGA  
GAGAGAGAGAGAGATTTCTCTCGAGGGAGG

>trans\_c\_6579 EU373003|Gossypium hirsutum gland development related protein 10-like mRNA,  
partial sequence

AAGCATTGGCCATGGGAAGATGGTACCAATTCAGTGGCCATGGCAAAGAGGAGGATGAGAGCTAACTTCGA  
GTTTCATAAAACAACTTGTTGTTAATGGTGGTGCTTCATGACAGAGATATAGCCCCAGATGCACCTACTTTGG  
AGGAACTAATGCAAACTTCGATGAAGTGGTGGCTGTTGCTAAAGAGCTTCAGGGAATAAATAATTTGGAG  
ACACCCAATGCCGTGTTGAGAAGTACGTGGG

>trans\_c\_6580 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

TCCGGTCCTCTTGAATGTGGAATCCTTTTTTCTAGTGGAATGACGAACGAACATATTTTCATTGATAAAAGC  
CCTCTCCTTTCAGTCGAGCCCTTGTTTCATCGATCATTCTTTGAGCCTCACTTCTCCTTCTTTCATTTCATCTCCC  
AAAGCGGGCACTAGCGATCGACGTGAAAACACCCGATCCCATTCCGACCTCGATATGTGAAATCGTCTTGCGC  
CATATGCGTCAGAGCCACCTAAAG

>trans\_c\_6581 Novel Gene

TGTTATACAGTCAGTGGATTGACAGACATGAATTTCTATCGTCACCTCGCAAGCGATCGGAACCTGTCGGGAT  
TCATGATAACATCAAACCTGTTATACAGTCAGTGGATTGACAGACATGAATTTCTATCGTCACCTCGCAATAGCT  
AAGGTTCACTAAAGCCTGCAGCGGTGACAATATGTCAGTCACAGCCAGTGAGTGTGAATTACTATCCAGTGAG  
AGTGAGAGTGCAAAGGATTCTACCAATC

>trans\_c\_6582 GQ916663|Hordeum murinum 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial  
sequence; chloroplast

AAGAGGAGTCTTGGCTTTTTTGAGAAAGAAGCTAGTCGGTTTGGGGCACGGCCGTTATTTTGACACAGATCAG  
CCGTGGAAAAAAGGAAAAAGGCTAAAGACGTTGTGATTTGCTGCTGTTAGATCGTGCTCGTTACCCCGATAGTG  
GCAGTACCTCTATTATTCTCATTGAACAGGGTCCCTAAAACCAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGT  
TGTCCATCGACTACGCCTTTCAAGCCCG

>trans\_c\_6583 X55076|B.vulgaris mitDNA for ATPase subunit 6

ACCAACCCAACCGGCGATTTCGACAAGTCTTCTTCATTTTTCTTGAAAGAAGCGGAACTACAGGGATGAAAT  
TCAAAGTGTTTCTGACTCTGACGCCCCACAGCCCACTTGAGCAATTTGCCATTCTCCATTGACTCCTATGCATA  
TAGGAACTTTTATTTCTCATTCAAAATTCATCTTTGTTTATGCTGCTCACTCTCAGTTTGGTCCTACTTCTGCTT  
CATTTTGGGCAGCCCCATTCT

>trans\_c\_6584 AC068809|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T16G12 From  
Chromosome V, complete sequence

AACGAATTGCTGCTAAACAAAGGGAGGATATTATCAACGACTGGGACGAGGGAATCCCTACTCCCAACAACA  
ACAACATGATATGGTTATGATGATGAACCAACAAAGGGGACTTGGGAATGATATGTTCCAACCCATGATGTAT  
TCTCGCCCAAACCCGGCCGTGAACTAACTCCACCACCCCGATGTTCCCTCCGGTTGCAACTGATCACGCGCA  
TACAGGAGGACTATCGTCTCCGCATTTCGC

>trans\_c\_6585 DQ370443|Eucalyptus cinerea probable ATPase (ycf2) gene, partial cds; chloroplast

ACCAGACACGAGATAGATCTTCAAAGAACAAGGCTTTTTTCGAATAAGCCAATTCATTGGGACCCTGCAGA  
TCCACTCTTTTCTTATTCAAAGATCATCTTTTGTCTCTGTGTTTTCACATCGAGAATTCTTTGGAGATGAAGA  
GATGTCAAAGTGGCTGCTTCTTCCCAATATATTGGTCTATATCTCTACATAAACCTTGTTTATCAAGAATAC  
GCAAGAAAAGTACTTCGGATTGTTG

>trans\_c\_6586 AY061919|Arabidopsis thaliana AT4g32480/F8B4\_180 mRNA, complete cds

GGACAATTCAAATTCGAGAAGAGGGGAAGTTCGGGTGGTGATCGAGCTGAATTTTAGGGCAGAGTTCGAGA  
TGGCGAGAGCAAATGAAGAATACAACAAATTAATCCGGCGATTACCGGAGGTTTTGTGGGGAAATCGGAGA  
GATTGTGGTCATTGATTAAGATCTTATGTACGGCGGCGAAGAGGTGTACGAAAGAGAAGAAGATGCATCTGG  
CTCCATGGAGGAAACAGAAATATATGCAATTA

>trans\_c\_6587 AJ577577|Olea europaea subsp. cuspidata chloroplast tRNA-Gln (UUG) gene  
(partial), psbK gene, tRNA-Ser (GCU) gene, tRNA-Gly (UCC) gene and tRNA-Arg (UCU) gene (partial)

TTTGCCCGGATTAAATTTTTTTTAGAAATAAAGTTTTTGATCGGAATATTAATCAACCCGAAGGATCCCTTAACT  
ATTAAGGGATTAATAGAACGAATCGCACTTTACCACTAACTATATCCGCTACAATGCAATTATTGTATATAA  
ATGGACCTTTTGTGAAGACGAAAATAAGTCGTATTAATAAGTAATAAAAAGATCGGATCAGAAAATAATCAT  
GAAAATTTGAGCGTTGACGATTTT

>trans\_c\_6588 NR\_022856|Arabidopsis thaliana (U2.6) ncRNA

AGCGAGCTGTTTAAAATTTGGTAAATAGAGGGGTGCGCCAGGCCCAAGCAGTAGTGCAACGCAAGGGCGAC  
GCTCGAAAGCCCCAATTTACCTAGCGGTGGATGGGCCCTCCCCCTAGAAAAATAAATTTAATATCATGTGAGC  
CGATGGCCACGTATCAGATATTAAGTATAAGAACAGATACTACACTTGATCTTAGCCAAAAGGCCGAGAA  
AGGTATAACACAGAATAGGATCATTTTCCT

>trans\_c\_6589 X68893|Chloroplast Chlamydomonas indica rrnL gene, exon 1

AGTACCGTGAGGGAAAGGCGAAAAGAACCCCGGCGAGGGGAGTGAAAAAGAACCTGAAACCGTGACGTA  
CAAGCAGTGGGAGCACCTTCGGGTGTGACTGCGTACCTTTGTATAATGGGTCAGCGACTTATATTCTGTAGC  
AAGGTTAACCGTATAGGGGAGCCGAGGGAAACCGAGTCTTAATAGGGCGTATAGTTGCTGGGTGTAGACCC  
GAAACCAGGCGATCTATCCATGAGCAGGTTGA

>trans\_c\_6590 FJ461342|Populus tomentosa vacuolar processing enzyme a (VPEa) mRNA,  
complete cds

ATGAACATAGATTGTGATATAACAATGGTGGGAGAAACGTA CTTCCAAATCGGATGAGTGGCTTGGCTTTCA  
TCATCATGCAGTGAAGCCCTTGTGTAGAGAGCTCCAAGGGCCCGGAGGGACGCTCACGTAAGCTTGCGCCGA  
TGCCTCCGCATCTGCTCCTTGCTGATTCCAGCATTGCATATGTTTGCAAAGGATCTCATGTGTTTCATTCCGTA  
CTGAGACAGAGATCCACAGCGTGCCT

>trans\_c\_6591 DQ069640|Ranunculus macranthus photosystem II protein D2 (psbD) gene, partial  
cds; chloroplast

ATTCACTGATTGGCAAGTTCCTATTTGGAAGGATGCAACTTCTTAACCGCCGAGTTTCGACTCCTGCTAATAG  
TTTAGCCCACTCTTTGTTGTTACTATGGGGCCCTGAAGCACAAAGGAGATTTTACTCGTTGGTGTACGGCTTGT  
TGAGTGTTCAAGGTGTGTGGACTTTTGTGCTCTCCACGGTGCTTTCGGACTAATAGGTTTCATGTTACGTCGT  
AAACCCAGTGCTCGTGGGCCACTT

>trans\_c\_6592 NM\_001111970|Zea mays Alpha-tubulin 3 (TUBA3), mRNA emb|X63176.1| Z.mays  
mRNA for alpha-tubulin 3

AAGGCGTAGTCGATGGACAACAGGTGAATATTCCTGTACTACCCCTGTGACTGTTTAGAACACCCTCAGACAA  
TGAAGCCATCTATGATATTTGCAGGCGCTCCCTCGACATTGAGCGACCCAACTACTCGAACCTCAACCGTCTTG  
TATCTCAGGTCATTTCTCTTTAACTGCCAGTTTGAGGTTTGATGGTGCATTGAACGTGGATGTTAACGAATTC  
CAGTGGTTGGGTGAAACGCGAAAC

>trans\_c\_6593 Novel Gene

GCCATACCGATATCCGCAGGGACCATCAAGCCCTCAGATCTCATAGCTTTGATAGAATCATACACGGTACAAA  
GCAAATGGTGTTTCATTCATCAAAAAGCCTTTACAGATAGTGATGTGTGTGCGATTAGATGTATGAATTGAATGA  
AAGAGGAGATGATGGTAGAGGTGGAGATAAGAAAAGGCTAATGACGAACAAAGCCACCTGCAACCGTTCAA  
TTTATATAGATTTTCCATCATTGGGCGAA

>trans\_c\_6594 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

CTCGGGGGTCTCGGGAAAAAGAAGGGGGAAGGGGATTAGTCAAAGATATTTGATTGTTTTAGATTATCCTCT  
CACCTCCTTCAAGTCAATAACTAGAATGAAAAAACGGGAATACCAACGCATCCGGGAATAAACGATTGATC



TCGATTAATAGACCCGCTAAAGCCCCGAACCATGACTAAGTCGTCAACAGTATTGTACCCTGTCGCGTATTTAA  
GTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCG

>trans\_c\_6595 AJ579711|Beta vulgaris mRNA for chloroplast chlorophyll a/b binding protein (cab11 gene)

CATTTTCAAGCAATACAGTTTGCCACCAAATGAATGTGGTTACCCTGGTGGGATTTTCAATCCCCTGAATTCG  
CTCCAACCTCTCGAAGCTAAAGAGAAGGAAGTAAGCAATGGGAGACTTGCGATGTTGGCGTTTTTGGGGTTCAT  
AGTGCAACACAATGTGACAGTACCCCCCGGTAAACACAATCTTTTGAACACATCTCAGACCCATGGCACAAC  
ACCATTGTCCAGACCGGGTGTGGCAA

>trans\_c\_6596 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

TTTTTGTAGGCACGTCCAACCAATTCTAACTATACAAATAATTTTTTTTAACTATGTTTAATGGATACTTTA  
GCTCATGATTCTCGGGCTAAAAATAAACTATGATTCTTTTTCTAAAAATTCGACTTTTACAGTTTTCGATTTT  
CACCAACAACCTGTTTATCCCATACAATATAAGGAAGTGGGAATATTCTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACCAC  
ACCAATCCATCCCGAACTTGG

>trans\_c\_6597 EU189220|Gossypium hirsutum 14-3-3a protein mRNA, complete cds

TTTACCGTTGATAACCCTACTGCGTGTTCCATCGTTCAATGCTTCAACCCAGTAACCAAGTGTCATGTGGATTA  
ACTCTCTACCTAAAGTTTCATCGGCATTGGACTGCTCTCCGCTTCGTCTGCAAGATCGGATGTCCACAGAGTTA  
GATTGTCCCTAAGGAGCTGCATAATAAGGGTAATGTCCTTGTAGGATTCCTCATTGAGACTGTCAAGTTCTGCA  
ATAGCCTCATCAAAGGCCTGCTT

>trans\_c\_6598 AY337607|Pringlea antiscorbutica arginine decarboxylase 2 gene, complete cds

CGTCAAATGTAACCAGGACAGGTTTGTTGTTGAGGATATTGTGAAATTCGGATCTCCTTTCCGTTTTGGGCTTG  
AAGCTGGGTGCGAAACCGGAGCTTCTTCTGGCAATGAGCTGTTTGTGTAAAGGGAATTCAGATGCCTTTTTGGT  
GTGTAATGGTTTCAAGGATGCGGAGTACATTTCTTTGGCGCTTATAGCTAGGAAGCTTGCTTTGAACACGGTG  
ATTGTTCTTGAACAAGAGGAAGAAAT

>trans\_c\_6599 FJ669695|Moultonianthus leembruggianus 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGTTGTTGTACATGGCCGTTCTTAGTTGGTGGAGCGATTTGTCTGGTTAATTCCGTTAACGAACGAGACCTCA  
GCCTGCTAACTAGCTATGCGGAGGTACCCCTCCGCGGCCAGCTTCTAGAGGGACTATGGCCGGATTAACCAA  
GGAAGTTTGAGGCAATAACAGGTCTGTGATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGCACGCGCGCTACACTGATGTAT  
TCAACGAGTCTATAGCCTTGCGGCTG

>trans\_c\_6600 EF207446|Heuchera micrantha inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

ACTGAGAATGGGCCAGAAAGCTAAGCAGTGGTAATTCTAAGGATTCCCGAGGGGAAAAATAGAGATGTCTCC  
TACGTTACCCGTAATATGTGGAAGTATCGACGTAATTTATAGAGTCATTGGTCTGAATGCTACATGAAGAA  
CATAAGCCAGATGAAGGAACGGGAAGACCTAGGATGTAGAAGATCATATGTACTACTAAGCCGTCAGCGAT  
TGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAAT

>trans\_c\_6601 AY366358|*Rubus chamaemorus* maturase (matK) gene, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

AACCCCGAGTGCGGCTAGCATCTTTTACACATTCTATGAAGTAACAGATTCGTCCATACTATCGGTAGAGTTT  
GTAAGACCGCGACTGATCCTGAAAGGAATGAATGGAAAAAGCAGCATGTCGTATTAATGGAAAATTCTAGTA  
ATATTTTACCTTACTAGCGGCTTAACCCAGGTGATCTCCCTCTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCT  
TGTCTCAAAGATTAAGCCATGCAT

>trans\_c\_6602 EF690303|*Bambusa oldhamii* photosystem I light-harvesting complex type 4 protein (Lhca4-1) mRNA, complete cds

AGGAGCAATTCCTGGGGACACGAAGATTGGAATCATCAACGCCCCCTCAATGGTACGACGCCGTCCCTTACTCG  
TACTTCGCCTCGTCATCAACTCTGTTCGTAATCGAGTTTATCCTCTTCCATTACGTCGAAATCCGAAGATGGCAA  
GACATTAAAAACCTGGCTGTGTTAACCAAGACCCCATTTTCAAGCAATACAGTTTGCCACCAAATGAATGTG  
GTTACCCTGTGTTGATTTCAATG

>trans\_c\_6603 GQ998725|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 acetyl-CoA carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

CTAAAGAACCCATGTAAATTTTTCTATGCGTGCTAGTTCTTATACTGAACTCTCACTTTGACTACTATTTCCA  
CCTTCAGCACAAATAGAACTATAAATGTAAGTGTCACTGTAATTGTGACTACCACTTAAATGTAAGTATCAAT  
ACAGATTTGAGTCCAAAGATAACTGTCAATGCAACTATTAATGTGATTATTCCAATAAAACGTACAGCAGC  
CTCTTACACAGAGACGTCTTC

>trans\_c\_6604 AF487258|*Stephanandra tanakae* isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE) genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

CACTTGAAGTGCTCTCTCCCTCAAGGAGGCAGCGGGGATTGACTTCCCCTGGGGGTACCACGGGACAAAAG  
GAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGAATTGATTCTAGGGGGGTGCGATGCCCGAGCGGTATTACCCCT  
GGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCCACCGGCCCGGCATGTGT  
GATGATTCTCCGTGTGAGTCAGTGAAG

>trans\_c\_6605 DQ069390|*Yucca schidigera* ATP synthase CF0 B chain (atpF) gene, partial cds; chloroplast

GGGGGAGTATGGTCGCAAGGCTGAAACTTAAAGGAATTGATTAAAGTTACTTCTAAAAGTTTGGAACAATTA  
GAAAATTATAAAAATGAACTATTCGTTTTGAACAACAAAAGCGATTAATCAAGTACGACAACAGGTTTTCC  
AACAAGCCTTACAAGGAGCTCTAGGAACTCTGAATAGTTGTTTGACAACGAGTTACATTTACGTACCATCAG  
TGCTAATATTGGCATGTAACCTGTCC

>trans\_c\_6606 NM\_121155|*Arabidopsis thaliana* ATP binding / ATP-dependent helicase/ helicase/ nucleic acid binding (AT5G11170) mRNA, complete cds

TTTGACCCGCGATTTCTTTGCTAAGTGTTGCAGAAAACATCATAACTTGTGTTGTCGTGAGGAGTCATCTTGAAG  
ATCTCTTGATATCCCTCCGCATATCAAGTGACTCAAGCATCTTGTCACACTCATCCAAGATAAAATGTCGGAC  
ATTCTTCAGGGATTCCAGAAATACTCTTGACAGTGCCAATATCCTTCCGGGTGTTCCAACAACAATATGAGGAC  
ATTCATTTTTCAGAAGATCTTTG

>trans\_c\_6607 XM\_002873917|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* tubulin alpha-3 (TUA3), mRNA

GATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATATTCTCCCTTTTCCTCGAGAGTGACTTGGGATATCAA  
TCGGTTCAAGTTGGTGTAAAGTTGGTCTTTCAATATCCAATGATCTCCTACAGATATCGTAAATGGCTTCATTGTC  
AAGAAGAACAGCAACATCTGTGTGTTCTAGCAGAGAATGAGTGGAAAGCACACTGTTGTAGGGTCTACCAC  
AGCAGTAGATACCTGTGGGAAAGG

>trans\_c\_6608 GQ997953|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome b6  
protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

ATGGGAATTTATTTTTCTGTATTCCGGATATACTCACACACACTTGTTAGAATTGATCCTATGGATACGACA  
GAGAAGAAGTCGGTCATCTTGATGAAGATGATTTATCTCGTTGGATATTCAGTCTAGGCTAGTATCTGGAGC  
ACAGAATATATGAAATAGATTCCAAAATATTAGAACAAATATTAGAACTATGATTCATACTTATCAGACCTCGT  
GGCCGGACTCCGAAACGGAGACC

>trans\_c\_6609 HM363120|Chasmanthium latifolium 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial  
sequence; chloroplast

AAGAGGAGTCTTGGCTTTTTGAGAAAGAAGCTAGTCGGTTTGGGGCACGGCCGTTATTTTGACACAGATCAG  
CCGTGGAAAAAAGGAAAGGCTAATCTGCAACACTACCATCATCACCGAGCTACATCTACCGTTTTAGCGACA  
ATGACGTTCTCGCCGCCTCTTTGAACACCCACCCCTAAAACCAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGT  
TGTCATCGACTACGCCTTTCGGCC

>trans\_c\_6610 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

TTCCTATATAATATAAAATGGTGGGTGTAAGAATCCACAGTGGATCATGTCCTTCAAGTCGCACGTTGCTTCT  
ACCACATCGTTTTAAACAGGACCCCGTTGCGGTTCTCGGCTTCTTGGAAGTGGTATGTAATTGATTCATTTATG  
GAATCATGTATAGTCATTGGGTTAGTTGGTCCATAGTAATCTATACTCTTATGACATGGGTAGTTTTTGAAAAA  
GTCTTAGCAATACTTCAATTTA

>trans\_c\_6611 AY727464|Prunus hortulana tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE) genes, complete  
sequence; chloroplast

AGAGATGATAAAAGAAGCTGAAGAAAAGGGGGCGGGTGCAGACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCA  
ACAAGCTTGGAATTGATTCTTCCGGGTCGATGCCCAGCGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCA  
ATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCATAGATATTTGTTAATTTTAATATGTGTGATGAAATGATATAACCTATTTG  
TCCTTCTACAGAAATACTTGATATGA

>trans\_c\_6612 HQ448762|Hemitomes congestum voucher Bidartondo s.n. 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

AATAGAGGAATCGGTATTCTAATGACTTGAGTGGTTCAGTATAATACAAATGAAAGAAAACGGGGAAGGAC  
ATCATAATGCGATACTAATCTTAAAGAGGGGGATATGGCGAAATCGGTAGACGCTACGCTGAATTTTATTAC  
TAGTGGTTAAAGTCGTGAGGGTTCATAGGATTTGATCCTATTCTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATT  
AACAGGGACAGTCGGGGGCCGATTA

>trans\_c\_6613 GQ998452|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 4L protein (ndhE) gene, complete cds; chloroplast

CAAGAGCTCACATCCATTATGTGTCTTGAGCTTATACTGAATGCAGTTAATATGAATTCGTAACATTTTCTGAT  
TTTTTGATAGTCGCCATATAAAAAAATATTTTCTCAATTTTGTATAGCTATTGCAGCCGCTGAAGCAGCT

ATTGGCCTAGCTATTCTTTCGTCAATTTATCGTAACAGAAAATCCACTCGTATCAATCAATCGAATTTGTTGAAT  
AAGTTTATCGCGCTTATGA

>trans\_c\_6614 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GGAACACGAATATCCCTTGAGAGGTGGAAGATTCTCGTTCTTCTATTTGACCCGAAACCGATCGATCTAGCC  
ATGAGCAGGTTGAAGAGAGCTCTAACAGGCCTTGGAGGACCGAACCCACGTATGTGGCAAAATACGGGGAT  
GACTTGTGGCTAGGGGTGAAAGGCCAACCAAGATCGGATATAGCTGGTTTTCCGCGAAATCTATTCAGCGA  
GATACGCTCGTGCGATGCGGGCTCCATC

>trans\_c\_6615 X06475|Arabidopsis thaliana U2 RNA gene (U2.4)

CTCCCCGTATAACTTAAACCTACTGCTGTACCATACCTTTATCATAGATCCCCCCCCGCAAAGGGGGCTATTGGG  
ATGGGCCCTCCCCCTAGAAAAATAAATTTAATATCATGTGGGCCGATGGCCACGTATCAGATATTAACTGA  
TAAGAACAGATACTACACTTGATCTTAGCCAAAAAACCAGTGGAGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGTC  
CATCGACTACGCCTTTCGGGCCTG

>trans\_c\_6616 AY865171|Lactuca sativa chloroplast inversion region

AAATCCTACTTTCATACAATATCTTAATGGAATTATATGTAATGATCAATAAATTGAGTTTAATTGGATCTATAA  
ACGTATCAAAATCTGAGCAACAATCTAATTTATTCTATAAATATTTGTACTGGAATTGACGACTAAGCACTACC  
AATATTAGTGTTTATTAGTGTTGAATATAAATGGGGCGTGGCCAAGTGGTAAGGCAACGGGTTTTGGTTTTAC  
CCCGTTTTTGGGGGGGGGGGGGG

>trans\_c\_6617 GQ997139|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 cytochrome c heme  
attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

ACGGTGGAGGAATACTCGATATGTGGATACACTTCTTACTTGGTGTAGCAAAGTACTATTTTTACACAAGGTTT  
TGCTACTTCAGGTTTTTTAACTGAAATGCATCAATCCCCACTATTAGTTCCGCTCTCCAATCTCATTGGTTAAT  
GATGCACGTAAGTATGATGGTATTAGGTTATGCAGCTCTTTTATGTGGATCATTATTTTCAGTAGCTCTTGTTG  
ACTTTAAACGACCCCACTTGT

>trans\_c\_6618 FR717454|Salix rorida chloroplast partial trnD-trnT IGS, tRNA-Tyr and tRNA-Glu  
genes

AGTTGAACAGGACATCTCTCTTCAAGGAGGCAGCGGGGATTCGACTTCCCCTGGGGGTACCACGTTCAATTT  
CCTTCAACTAGTACCTAATAGTTGTTCTGAACCTTAACTAAGAAGGGTCGATGCCCCGAGCGGTATTACCCCTGG  
ACGGACGGGCCTAAGCATGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCCACCACGCCTTGCCCCAC  
ACTACTAAGAGGCACACTCTGTAC

>trans\_c\_6619 X13914|Wheat signal recognition particle (SRP) 7S RNA variant 2

GATCCACGGTTTGGACAAAAATGTCAGAGTGGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCCGTGTAGGGCTTTACTGA  
GATGATTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCCTTTTGCTCTCGACGTAGGTTGGGAGTCCATTG  
CTCGTAAAGATGGAGGAAACGCGTGAGGCTGGTTTCACAGAGCAGCGTCACCACCCGCACAACACCGTGGA  
AGGATAACAGGTCGTTGAGGTGTGGCC

>trans\_c\_6620 NM\_001067761|Oryza sativa Japonica Group Os08g0203800 (Os08g0203800)  
mRNA, complete cds

AGTAATTCTAGAGCTAATACGTGCACCAGGGTTTTCTTTTGAATTCTCTTCGTTTCCCACTTGATCTCGATCT  
CGAGGCATTTGTAATCCGCCTTTGGATCTCCTACTGGTTGTCTGAAACTCCAACGATTTGGCTTTTCTGCTCATT  
CGTTAGTTTATTTTCAGACAAGTTGAGTTTCAGATCCTTATGGATGTTGTCTATGCCTCACTCTACGGTGGGTTA  
CATTTTAGGGGTCGACGGA

>trans\_c\_6621 AB106982|Castanopsis fissa chloroplast DNA, trnD side of trnD-trnT IGS

AGTTGAACTTCACGAGAGAGGGACAGAAGAATGATAAAAGCCTAGTCCTTTTCAAAAACGTTGTACCGTAAA  
AGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGAATTGATTCTAGGGTCGATGCCCCGAGCGGTATTACCCCTG  
GACAAGTAAATTCGTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCCCACACGCCTTGCGGCA  
CACTACTAAGAGGCACACTGTGTCAC

>trans\_c\_6622 Novel Gene

AATTATTATAGCGGGTTGGTCTAGTAATTCGAAATATGCCTTTCTAGGAGCATTACGATCTGCAGCTCAAATGG  
TCTCTTATGAAGTCTCTATTGGTCTGATTCTTATTACTGTACTAATATGTGTAGGTTCTTGAATTTGAGTGAGA  
TTGTCATGGCGCAAAAGCAGATATGGTTCCGTATTCCCTGTTCCCTGTATTGGTTATGTTCTTTATTCTTGTC  
TAGCAGAACTAATCGAGC

>trans\_c\_6623 AY188241|Eucalyptus globulus small ribosomal protein 4 (rps4) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

GAACGACAATTACTTAAATACGTTTCGTATCGCCGAAAAGCCAAAGGATCAACGGGTCAAGTTTTACTACAAT  
TACTTGAAATGCGTTTGGATAACATCCTTTTTTCGATTGGGTATGGCTTCGACTATTCCTCAAGCCCCGACCGCCG  
AAATTACATAGACATATTTTAGTTAATGGTTCTATAGTGGATATACCAAGTTATCGGTGCAAACCCCGAGATAT  
TATTACAGCAAAAGATGATGGG

>trans\_c\_6624 EU314657|Agrostemma githago ribosomal protein L20 (rpl20) gene, complete cds;  
rps12 gene, partial cds; and ClpP (clpP) gene, exons 2, 3 and partial cds; chloroplast

ATTCATTCTATCCTATTCCTGTAAGTATTAAGTATGATACGGGAAAAATTTGTACTTTCTTTGTCCCGGTCCATGG  
GGATGGGGGTGATAGTATACCCCTAGTACATGTTCTCGACGCTGAGGGCATCCCCGAAGGGCGGGCGATT  
TGGTGACATTTCTGATTGGCTGTCTTGTTTCTAATAAGTTGTTTAATAGTTGGCATGTTGAATTGTATACATA  
ATGAGTTGGTTTAGATCAAT

>trans\_c\_6625 X54738|L.esculentum mitochondrion coxI gene for cytochrome oxidase subunit I

CCGGTTGGAGGGTATCTAGGCATGGTTTATGCCATGATCAGTATAGGTGTTCTTGGATTTCTTGTGGGCTCA  
TCATATGTTTACTGTGGGCTTAGACGTTGATACCCGTGCCTACTTCACCGCTGCTACCATGATCATAGCAGTCC  
CCACTGGAATCAAAATCTTTAGTTGGATCGCTACCATGTGGGGGGGTTTCGATACAATAAAAACACCCATGTT  
GCCCATCACGAAACCTGCTCCC

>trans\_c\_6626 NM\_001054826|Oryza sativa Japonica Group Os02g0777700 (Os02g0777700)  
mRNA, complete cds

GACGGTCATAAGGACTTCCTTATCCCTTATTAGGAGTGCAACTCATGAAATTCCTAACCCTGCTTTGAATATG  
GATTTCTCAAATCTTTGATAAGGAATTCGCTTCGCCCCCTCTCTTCTAACCTCAGTCGAGTGGCTTCGCTCCT  
CTCCTATATTTTTTCTACGAGTACCTTCGCTCTGAACCTTCTAACCTCAGTCGAGTGGCTTCGCTCCTCTCCTA  
TATTTGGGGAGCGAGACG

>trans\_c\_6627 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete sequence

CGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGCCTGTCAGTAGGGTGAGGAGGT  
TCTACCCCGTGGAACGCTCTTTAATGGAACCTTAGCTTTAGCTGGTCGTGACCACTCCCAACAATTGGGATAG  
GTTGTTTAATTTCCGTAAATCAGGCGACCGGGCGCCGGTAAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGGAT  
TAATCGTATTCTGGGCCGGAGCAA

>trans\_c\_6628 AF479085|*Polygonum sachalinense* 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TATTCAAATGAGAACTTTGAAGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTCCATGTGAACGGCACTTGCACATGGGTAGT  
CGATCCTATCTCTGTTTTTGGGTTTTGTTCTGCCGCGCAACAGCGCGAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAAAT  
TCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACGTAAGGGATTCCGGAGACGTCGGCGGGGGCCTCGGGAA  
GAGTTATCTTTTCTGTTTAACAGCCTG

>trans\_c\_6629 HM043720|*Salix sachalinensis* cellulose synthase 3B mRNA, partial cds

AATGACCCTGGAACAAAGGTTTGGCCAGTCTTCTGTTTTTGTTCCTCAACCCTTATGGAAAACGGTGGTGTTT  
CTCAATCCGCAACGCCCGAGTCTTCTCTTCTCGCTATTATGTTATTAGCTGTGGATATGAAGATAAAACG  
GACTGGGGATCCGAGATTGGATGGATTATGGCTCTGTCACTGAAGATATTCTTACAGGATTCAAGATGCATG  
CTCGTGCAACCGCCAGCTAAAT

>trans\_c\_6630 Novel Gene

TACATTCGTAAGTGAAGACGTCTCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGATCAGGAGGGAT  
TTTCTCCGTTAGCTGGGCCCCCTGATCCGCCTAGACCAAGGGCGAACACTCATGTTTACGGCATGGACTACCA  
GGGTATCTAATCCTGTTTCGCTCCCCACGCTTTCGCTCCTCAGCGTCAGTTACAGACCAGAGAGTCGCCTTCGCC  
ACTGGTGTTCTCCACATCTCTA

>trans\_c\_6631 AY555065|*Corchorus olitorius* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTGGGAGCCGAAAGGCGAAAGTGGAAATACCACTACTTTTAAACGTTATTTTACTTATTCCGTGAAACGGAATA  
TTTATGTCATTTTCTCCCCAAGTGCCCTTAAACAGGATTTGGGCCGATCCGGGCGGAAGACATTGTCAGGTG  
GGGAGTTTGGCTGGGGCGGCACATCTGTAAAAGATAACGCAGGTGTCCTAAGATGAGCTCAACGAGAACA  
GAAATCTCGTGTGGAACAAAAGGGTA

>trans\_c\_6632 GU732460|*Malus x domestica* AP2 domain class transcription factor (AP2D36)  
mRNA, complete cds

AGATCGTGGACATGCTCCGTAAACATACCTACAATGAGGAGCTCCAACAGAGCAAGCGGCACCAGCGGGGG  
GCGATGGCAGTTGATTGGGGTCGTTCCCCCATTACTCGGGGTCGGGGTCGGGGTCGGATTCAAAGAGAGAA  
GTGCTGTTTGAGAAAACGGTGACGCCAAGTGACGTGGGGAAGTTGAACCGGCTGGTGATTCCGAAGCAACA  
CGCGGAGAAGAATTTCCCTATTTCTCTT

>trans\_c\_6633 DQ125945|*Populus tremula* x *Populus alba* glutamate decarboxylase mRNA,  
complete cds

AGGGATACCAAACGTGATGGAAAACGTCAGAGAAAACATGATTGTCCTAAAGGAAGGACTCGAGAGAACA  
GGGCGGTTCAACATCGTGTCTGAAGACAATGGAGTTCCACTTGTGGCCTTCTCCTTGAAAGACAACACACGCC

ATACGGAGTTTGAGGTATCAGAAATGCTGAGGAGATTCGGGTGGATTGTACCAGCTTACACCATGCCTCCGG  
ATGCACAACACATAACTGTCCTTAGAG

>trans\_c\_6634 Novel Gene

AGGGTTAAAAGCGGGTGGATAGCCTGGTTCCTATAGGCCGGGGCCAACGAGAACTGATAATCGGGGACCGA  
CAAACCTGGAAAACTGCTATAGCTATCGATACCATATTAACCAAAAGCAAATGAACGAAAGGGCCACCTCTG  
GGAGTGGGAGTGAAACATTGTATTGTGTCTGTACGTATCGTGGACAGAAACGGTCAACTGTGGCACAATTAG  
GGACCCGGAGTGCAGGGAAAAATGCCA

>trans\_c\_6635 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

CGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAACGCATATCACTTTGCGGGTACTGTCAGTAGGGTGAGGAGGTT  
CTACCCCGTGGAACGCTCTTTAATGGAACCTTAGCTTTAGCTGGTCGTGACCACTCCCAACAATTGGGATAGG  
TTGTTTAATTTCCGTAAATCAGGCGACCGGGCGCCGGTAACTACTGGGGGCTCATGTAGCCCATGCCGGATT  
AATCGTATTCTGGGCCGGAGCAA

>trans\_c\_6636 AY727472|*Gratiola neglecta* tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE) genes, complete  
sequence; chloroplast

GTGAACTTCACGAGAGAGGGACAAGGAGGCAGCGGGGATTGACTTCCCCTGGGGGTACCACGTTACGGGG  
AAGGACCAGCTGCAAGCCGCTGGTGGATCCAAGGCCAGCCTCAGGGGGGTGATGCCCGAGCGGTGGCAA  
AAGTAAGTCATAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCGGAACATGACCT  
GTACATGATTCTCCGTGTGACTACTGT

>trans\_c\_6637 AF502577|*Chlamydomonas reinhardtii* epsilon-tubulin gene, complete cds

TGAGGCCCATGCGGAAACGCTTTTGAGTCAGGAATTAGATTTTGAAGGGTTTTTTAATTTGGGGTTATGGCTA  
TTCCTTTTTACCGTCGATTATTGGGTGCGAGAAATCCGCCATGGAACCGGCATTGTGGTGCCCTTCTTCTACT  
CCATCTGGCCTTTTGGCACCGCCATTGTCATCTGGGATTTTAACTCAAGACGAATTGAAGAAGATTGCTGCGA  
GCGGAATCACGCTTGCGTGAGA

>trans\_c\_6638 AP009376|*Nasturtium officinale* chloroplast DNA, complete sequence

AATTCCGATTCTTTCTTTTCTATTGATTCTTTCCGATCGAGATGTATGGATCCATGGGCCTATGTGTCTATATA  
GATCCTGTTTCATGGATTAACGAAAATGTGCAAAAGCTCTATTTGCCTCTGCCATTCTATGAGTCTCTTCCTTTTCG  
CATGCGTTACGATAACAGGTACTTCCCTGTTGAAGTCTGTTGAGCTTTTCTGGGAGTATGGCATGGGTTAC  
TTCAGCGCCGTAGCGCCT

>trans\_c\_6639 DQ785847|*Cucumis melo* subsp. *agrestis* maturase K (matK) gene, partial cds;  
chloroplast

ACCAGAATAGATTTTGCTTGATATCTAACATAATGTATCAAAGGATCCTGAAGATCCGTAAGATAGCCGAAA  
AATAATTAGCAAACACTTTTGACAAGATGTTGATTTTTCCATAGAAATATATTCGCTCAAAAAAGCCCTATAA  
GAAGTTAATCGTATATGAGAAGACCTGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCG  
CAATGCTTTGTTTTAATTAACCT

>trans\_c\_6640 AY389584|Hyacinthus orientalis ubiquitin-conjugating enzyme (UBC) mRNA, partial cds

ATCAGTTTATGAAATAGACTGAAGTAGTTCATCTGAATAAACCAAGCAAGCATATCACATAATACGCAAATTAC  
ATAACAAATCAGTTTTCTTCCCAGATACAATATCGTGCAAACAAACCACTCGACTATCTTTCTGTTTGCCTCTA  
CAAGCATTTTGTGGCTAATCAGCAGTCCAACCTCTGTTCCACGATCTAGCGTACTCTCCTGTTGTATTCACGCTTG  
TTCTCACTAAACATCCTA

>trans\_c\_6641 EF152459|Androsace pyrenaica isolate Apyr-A507 tRNA-Gly (trnG) gene, complete sequence; and tRNA-Arg (trnR) gene, partial sequence; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCCAGTGCAGGTCAAAATGTAGACGCGGGCCCGAA  
AATTTATCCATCTTCCATAAAGGAGCCGAATGAAACCAAAGTTTCACGTTTCGGTTTTGAATTAGGACACCCACA  
AACACCCACATGAATCAACGTCGACTATAACCCCTAGCCTTCCAAGCTAACGATGCGGGTTCGATTCGCTAT  
CCGCTCCGCGGGCCAATATGGT

>trans\_c\_6642 NM\_118274|Arabidopsis thaliana SPHK1 (SPHINGOSINE KINASE 1); D-erythro-sphingosine kinase/ diacylglycerol kinase/ sphinganine kinase (SPHK1) mRNA, complete cds

AAATGAAGCAATCTCAGCAGCAAGAGGACTTCCACAGACAAGGGCTCATATAACCTGTGGTGGACACTATGG  
TGGGCTCTAAGGAAGCCAAGAGTTCGCTCTGCCTTGAAGACAACTCTAACTAGAGGATGAATTGAGGTG  
GATGTGCCAAAGCCCAGTTCTACTTTTCTATGCAAAGTTTACCATCTCTGTACATAGAGATTATAGCTTTAAGA  
ACAAAGACGTACCTCCTCTTTTCT

>trans\_c\_6643 NM\_124273|Arabidopsis thaliana 5' nucleotidase family protein (AT5G48960) mRNA, complete cds

CTTGGAACCCCGTTCTTACCAGAACTACCTTACTTAGTCCTGTAAACAAACGGCATTGACTTCACGCAGGTC  
TCAGAAGATGACGCTGTGTTTGTGCGCCATGGACTCCAAATCAGTTGGTGTGGAGGTGATGTATTTTCTGTT  
ACGTCATCGGCTAAGTCCGGAGTTGATTATCTTGGACAGAGCACTAAAGGAGATATGAATGTTAAATTCGAGC  
ATCTTGATGCTTTAGGTGTTCC

>trans\_c\_6644 BT012045|Arabidopsis thaliana At3g55490 mRNA sequence

GGCCAATGCAGATCATACAGATATCAACCCTGTTGACAGAGGCTTGGTTGTCTCAGTTTCTACTTCTCCCAATC  
TAATTGATGCAAACACATCTGCAATCCCACAGGCAAATGGTAATGCTGCTTCAACCCAAGAGCCTGGCTGTAA  
AACATTAGAAATATCGGATTCTCAAACATTACCAAATCAACCAATGCTGGAAAGTAGCAAGGTTCTGTTTAC  
TGACCCGGGAGTGGTCACCAG

>trans\_c\_6645 NM\_001051160|Oryza sativa Japonica Group Os01g0817700 (Os01g0817700) mRNA, complete cds

CAGTTGTTACTCAAAGGAGCAAGTGAGCGTGGTGCTAAAAGAATCCGTGTCCATATACTTACAGACGGGCGT  
GATGTTTTGGATGGCTCCAGTGTAGGCTTTGTAGAGACTCTTGAAAATGATCTTGCCAAATTACGTGAGAAAG  
GGATTGATGCACAAATAGCATCTGGTGGAGGCCGTATGTATGTGACTATGGATCGTTATGAGAACGATTGGG  
AAGTTGTGAAGCGAGGATTTTCGTA

>trans\_c\_6646 BT005305|Arabidopsis thaliana At4g11960 mRNA, complete cds



CCTTACCCTCCTCGAGTTCGCTCGCTGTTCCGTTTCAGAATCAGAAACCGGCAGTTCCTCTGCTTCCCTCTTCCT  
CAAGGTCGTCGTCCTCAATTGATTAGGGTTTCTAGTCGCCGCCTGTTCTTCGCCGAAAGTCGTTCTTCCACCT  
CCTCGAGCAACTACTGATCAACCAGGTCAGGTTGAGGGAGATGAGGTTGTTGATAGTAATGTCCTTGAATATT  
GTAGCATAGACAAGGAGACC

>trans\_c\_6647 EF196866|Phaseolus vulgaris lipoxygenase mRNA, complete cds; nuclear gene for  
chloroplast product

GAAGACACTGAACTCGTTGAGAAAGGGGCTAATACCGGCTTTGGAGTCGTTTCTACTGACACTGATATACGT  
TTCCACATTTCCCTGCAATAGATGATCTTTATGATAATGGAGTTCCATTGCCTGCTGCCAAAGGCGGTTGGAA  
GCAGATCGCTACTGCCCTTCAAGGCTTATTGACTCTGTTGTTGATAGGGCTGAGGATTCTTGCGTTTTGTTT  
CTCCTGAAACATTTGATAAGG

>trans\_c\_6648 EF207448|Kalanchoe daigremontiana inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

CCATTCTCATTGCCTCGCGAGTCTCTTCGAAAATACGTATGGCATCGCCACTCCCTTTGGCAGCATCCACTAATT  
CGGAACTTAATTTGAAAGCCATATTTGACCCGGACGTTTTCGGGATGCCCTAATAACCAACGAATGGCAAG  
TGCTTTTCCTTGTGTGGATCCTATTTCAATGGGAACCTTGATGAGTTGATCCGCCTACACGTCTTGCCTTTACTGC  
TATATCGGGAGTTACTCCA

>trans\_c\_6649 U63826|Picea glauca 5S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGGGCGAGAGTAGTACTAAGTTGGGTGACCACTTGGGAAGTCCTCGTGTGCACCCCTGCGGAAAATTACAC  
AGTCTATAAAGATCTTGGGTGAATAAAAGGCTCTTTAGATGCTGCTAAGACGTTTCTTGGGGATTTACATAGT  
GGGGGCGGGTCGGATCGGAGGACCCGGATGAAGACTTAGGACGACTCGGGTTGACCCAGTCAATACACAAA  
GGTTGACTTTGGTTCTATATTTTT

>trans\_c\_6650 FJ647144|Schizophragma integrifolium tRNA-Asp (trnD) gene, partial sequence;  
tRNA-Tyr (trnY) gene, complete sequence; and tRNA-Glu (trnE) gene, partial sequence; chloroplast

ATGTTGAACTTCACGAGAGAGGGACAAGGAGGCAGCGGGGATTCGACTTCCCCTGGGGGTACCACGGGCAT  
TTTCCTTCAACTAGTACCTAATAGTTGTTTGAACCTTAATAAGAAGGGTCCAGCTACGGGCTCGCCATAATGG  
GGACAAGTCCCGGATTGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCAATAAAACGCGT  
GTGTCGTCGGAGAATGTGTCAGA

>trans\_c\_6651 AF393605|Pedinomonas minor small subunit ribosomal RNA (rrs) gene, complete  
sequence; tRNA-Ile (trnI(gau)) and tRNA-Ala (trnA(ugc)) genes, complete sequence; and large  
subunit ribosomal RNA (rrl) and 5S ribosomal RNA (rrf) genes, complete sequence; chloroplast genes  
for chloroplast products

GGGAGGGAAATTGAGTACCGAAGTTCCGATTTCACACTGCCAAGAAAAGCCTCTAGTTAGATCATAGGTGC  
CCGTACCGCAAACCGACACAGGTAGGCGAGGAGAGAATCCTAAGGTGAGCGGGAGAACCATGTCTGAAGGAA  
CTCGGCAAAATGACCCCGTAACCTCGGGAGAAGGGGTGCTCTCTGCTGAGGAGCCGAGTGAAAAGGCCCA  
AGCGACTGTTTACCAAAAACACAGGT

>trans\_c\_6652 AM711639|Cuscuta gronovii complete chloroplast genome

ATACACCTCGAGCCGTACAGAGGGAAGCACAGGAGAACGTTCTTTTGCTGATATTATCACCAGTATTCGATAC  
TGGGTCATTCATAGCATTACTATACCTTCTCTATTTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGCTTAC  
GATACGGGGTTCCTAAAGATGAACCCAGGTAGGAAACATACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTG  
TCTCAAAGATTAAGCCATGC

>trans\_c\_6653 X75799|C.sativus chloroplast gene for tRNA-Leu

ACTGGAAGCAGGGGTTCTGTCCGCCCTGCACCCACCCCCGAGTATATGCTTCAACAGGAATTAACAAGGG  
TAGATTGATACAATAGAAACCTCTGGTAAATGCCACCCGTAACCCAGCAGATAAAGTACATTACATAGTCC  
GTTTTAGGGATTGGCGACTTACCCATTTCAGTGACTTTGGCACTGGACGTTCCAAAAATGGGGTACTATCGGGT  
CCCCACTTAAGTTAAATAGAAA

>trans\_c\_6654 AB547973|Picea morrisonicola chloroplast psaA gene for photosystem I P700  
apoprotein A1, complete cds

AACATCTGAAAAAACCAGAGGTTATTTGTATTCTCGAAACCCCCGCCTACATCACCATTCAATATTTCTTGG  
CCCACTATTGGCACCCACACCTGGGCACTAGGGCTAATGTGAGTAGGATCACCTAGCCATGCTTCATAATTGG  
AAAAACGAGCACCGTGGAATACTTTGTCCGTTTATGGGACAGCCGATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTA  
CCAATCGCTCGGTGGGAATT

>trans\_c\_6655 AF479141|Byblis gigantea 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GGCTGTAAACAGAAAAGATAACTCTTCCCGAGGCCCCCGCCGACGTCTCCGGAATCCCTTACGTTGCCGTCA  
GCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTGTTGCGCGGCAGACTGGG  
GTTTCCCCGTCTCTTAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTCCCCTCTTCGGCCT  
TCAAAGTTCTCATTTGAATA

>trans\_c\_6656 Novel Gene

TTGCCGCGCCGTAACGATAACGGTCCTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTCGGGTAAGTTCGACCTGCACGAAT  
GGTGTCACGACTGCCCCGTGTCTCCGACATGGACCCGGTGAAATTGAATTCTCCGTGAAGATGCGGAGTACC  
AACAATCGAGTAACGGAGTTTTACATGAGCCGGCGACTCATAGGCAGTGGCTTGGTTAAGGGAACCCACCGG  
AGCCGTAGCGAAAGCGAGTCTTC

>trans\_c\_6657 AY103807|Zea mays PCO130571 mRNA sequence

CATCCCCTGCCAAGGCCCAAAGTATCGTGTGGAGAATTTGTACGAGGGTCCACTAGATGATGCTTACGCTAG  
TGCCATTAGAAATTGTGATCCTGAAGGACCTCTTATGCTTTATGTATCGAAGATGATTCCTGCATCTGACAAGG  
GCAGGTTCTTTGCCTTTGGACGTGTGTTCTCTGGGAAAGTTTCAACTGGTTTAAAGTTAGAATCATGGGCCCC  
AACTATGTGAAACCACTTT

>trans\_c\_6658 AF033645|Pleurozium schreberi 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal  
transcribed spacer 2, 4.5S ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 3, and 5S ribosomal RNA  
gene, complete sequence, chloroplast genes for chloroplast RNAs

TTTGATAGGCACGTCCAACCAATTCTAACTATACAAATAATTTTTTTTAACTATGTTTAATGGATACTTTTAGCT  
CATGATTCTCGGGCTAAAAATAAACTATGATTCTTTTTTCTAAAAATTTCGACTTTTACAGTTTTCGATTTTTCAC  
CAACAACTGTTTATCCCATACATATATCTTCAGTGTTTCATATTCTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACCCACACCA  
ATCCATCCCGAACT

>trans\_c\_6659 AY968421|Seyrigia humbertii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAAAATGCAAGTTAGATGCGAGCCAGAGTAATAATTCGATTTGAATCCCACCGTATTACACCTCTGCTCGCC  
GTCACGATCGTGGCTGGCAGCGCGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCTGCGCGCTCCTGGCATCGGCCTGT  
GGGCTCCCCATTGACCCGTCTTGAAACACGGACCAAGGAGTCTGACATGTGTGCGAGTTAACGGGCAGACG  
GGTTTACGGAATATGGTTCCAT

>trans\_c\_6660 GQ435577|Luffa aegyptiaca voucher PS0469MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial cds;  
chloroplast

TAATTGAATTGCGGGACCTTTAAATTTATTTTTTATGATATTTTAACTTTGAGCATATATTAACATATAT  
CTTTTCGGTCATTTCAATTGTCATTACAATTCAGTTAATAACCTTATTAATCAATGAAACCGTAGGACTCTATG  
TTTCGTGAGAAAAGGGCATGATAGTTACTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGATTTATTTGA  
GGCATTTACCATTA

>trans\_c\_6661 EU016768|Anethum graveolens NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 1  
(ndhA) gene, partial cds; chloroplast

CACGCAACCGAGGGAGAGGGCGCTTATGAGGAATACAACAACGGATTGGACCTGAATATGCTGGTCCTTTGG  
GAGTTCTTCAAGCTTTAGCAGATGGTACAAAACCTACTTTTTAAAGAAAATCTGCTTCCATCTAGAGGTGATACT  
CGCTTATTCAGTATGGGACCATCCATAGCAGTCATATCACGGGGCATAAGCGCGGGAGTAATTCCTTTTGTT  
ATCGCCTTGTTTTAGCCGAT

>trans\_c\_6662 AF073744|Cucumis sativus raffinose synthase (Rfs) mRNA, complete cds

AGGGGAAAAAGATGGCTTAAATGACATGTCCTACCGTTTGCAATCGATGGGTCAGATTTCACTGTGGACGGT  
CATTTGTTTCTGTCCGATGTTCTGAGAATATTGTTGCTTCTCCTTCTCCGTACACTTCGATCGACAAGTCCCCA  
GTTTCAGTCGGTTGCTTTGTTGGATTGATGCGTCAGAACCTGATAGCCGACATGTTGTTTCCATTGGGAAGCT  
GAAGAGCGCCTAACCCG

>trans\_c\_6663 Novel Gene

AGTGATTGCTTAGGGACCTTAGCGTACGATCTGGGCTGTTCCCTCTCGACTTTGGATCTTAGCACCCCCAAAAG  
TCTGTCTGTACAAACGATCTAGGCCTGTATTCGAGTTTCCCTGGGGTTGGTAAGGCGAAATGGGGTTGTTTC  
GATTTGCCAGACATCTCGTTCTAAATACGATACATACGCTCTACTGAAATAGATTTGCGGAAAACAGCT  
ATATCCGATCTTGTTGG

>trans\_c\_6664 U59958|Hyobanche atropurpurea 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTTGTACATGGCCGTTCTTAGTTGGTGGAGCGATTTGTCTGGTTAATTCCGTTAACGAACGAGACCTCAGCCT  
GCTAACTAGAGCGTCGGAGACGTTTTTAACTATCCTTCACGGCATACTGTGAGGTTTTTGCAGCGAGAAGCCA  
TCGAATTAGAATGTTGTTCCCATCCGCCAGTCAATCCGCTGCCGATTCTGTTCTACACTGGAGCGATTTGGTTT  
AGGGGGATTTTTCTGGTT

>trans\_c\_6665 AF061515|Spinacia oleracea ferroxin-dependent glutamate synthase precursor,  
mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

TGCTAAAGGATCCATACTTGAAGGCCCAAGTATTGCCAACATTTTTCGATATACGTAAGGGTGTGGATGGTTC  
TCTGGAAAAAATTTCTAAACAGACTTTGTGATGCTGCTGATGAGGCTGTTTCGCAATGGTTCTCAACTGCTCGTTC

TATCTGATCGGTCTGAAGAGCTTGAAGCTACTCGCCCAGCAATTCCAATTCTTCTTGCTGTGTTGTGACAAGTA  
GTCGTAGAATAACATAAC

>trans\_c\_6666 AF542557|Marchantia polymorpha PAC pMM2D3 R2 region

CCAAAGAAAAGCAACAGGGATCTGAACGTGAAGCAGAGCAAGAATCAAGAGAACTGATAGAAACAAAGATC  
AGGGAATCTGTTGAAGTTTCCCATGAAAGTGAATTACTAGTTGAAGTTCATCAAGCAAGAGAACAAGTATTGA  
TAGAAAAAGAGAGAAACGAATCCTTAGAACCTCCAAAGAATAAGGAGCAATCAGATGAAGCTATTTCCCATCT  
CTAGCTCGAAGATCAGTACCAC

>trans\_c\_6667 X06475|Arabidopsis thaliana U2 RNA gene (U2.4)

CTCCCCGTATAACTTAAACCTACTGCTGTACCATACCTTTATCATAGATCCCCCCCCCGCGGCGGGGCTATTGGG  
ATGGGCCCTCCCCCTAGAAAAATAAATTTAATATCATGTGGGCCGATGGCCACGTATCAGATATTAACTGA  
TAAGAACAGATACTACACTTGATCTTAGCCAAAAGGCCGAGAAAGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGTC  
CATCGACTACGCCTTTCGG

>trans\_c\_6668 Novel Gene

CACTTGAAGTGCTCTCTTCTGAGGAGGCAGCGGGGATTCGACTTCCCCTGGGGGTACCACGTTCCGAAAGG  
AAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGGAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCGAGCGGTGCGCAAAAGT  
AAGTCTGCCCCGATGGGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACACGTTCCACGGTGCAC  
TACTAAGAGGCACACTGGG

>trans\_c\_6669 XM\_002871860|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin alpha-3 (TUA3), mRNA

GATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATATTCTCCTCCCCCTCCTTCTTGACTTGGGATATCAAT  
CGGTTCAAGTTGGTGTAAAGTTGGTCTTTCAATATCCAATGATCTCCTACAGATATCGTAAATGGCTTCATTGTC  
AAGAAGAACAGCAACATCTGTGTGTTCTAGCAGAGAATGAGTGGAAAGCACACTGTTGTAGGGTTCTACCAC  
AGCAGTAGATACCTGTG

>trans\_c\_6670 Novel Gene

TACTCGATGGACAACAGGTGAATATTCCTGTACTACCCCTTGTTGGTTTTAGGGGACCCACAAGTTTTCAAGTG  
AAGAGTTCAGTGCATGAAGACACAATTGTTGTCCACTAAGTTCTTGTTGAGACTCTTTCTTACCTTCCTGATAT  
GAGTAACGAGCAATTGGGAAAGGAAGTTGACTACCTTCTCAGGAAGGGATGGATTCCCTGCATTGAATTCGA  
CATTACAGTGGATTTCG

>trans\_c\_6671 EU016740|Anethum graveolens clp protease proteolytic subunit (clpP) gene, partial  
cds; chloroplast

AACTAGCAGGTTGATGGATCATTACCCTAGCGTGCGGGAATGCTAGACGTTTGGTAATTTCTCCTCCGACTAG  
AATAAAAGATCCCATGAAGCGGCTAATCCCATGCATACTGTGACATGTACACCAACGTGTTTATGCATAGTAT  
CATAAATACCTAATCCGCTTATTACCCCTCCACCGGGAGAGTTTATAAATAAATACAGATCTTTGGTATCATTCT  
CCATACTGAGATATAC

>trans\_c\_6672 GU065695|Populus trichocarpa gamma class glutathione transferase EF1Bgamma3  
mRNA, complete cds

ACTTCATCCGATATATCAACCTGCCTCCATTCTATAAAGTTCCATGTCATAGCACTCGTCCAAGATGAATTCGGG  
ATCTCTTGTCCACGGAAAAGCCATAAGCCCTTCACCTTAAATGGAGGTTCTGATCCAATCACTAACATCTTCCC  
AAAAGCATACTTACGAGCGAGATCCATCCGCTGGAGAAAGCCACCAACCTTGTTCAACGTCACGAATGAAACA  
ATGTTCTCATCGTTGT

>trans\_c\_6673 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome l, complete  
sequence

CGCCCCTAAGCTGAAGGGGACCCCCATAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTG  
GAATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCCGAGCGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTA  
CGCTGGTTCAGGCGTAGAGAAACCACACCAATCCATCCCGAACTGGTGGTTAAACTCTACTGCGGTGACGAT  
ACACATCCCCTCCAGGACG

>trans\_c\_6674 DQ785847|*Cucumis melo* subsp. *agrestis* maturase K (matK) gene, partial cds;  
chloroplast

AAAGATGCATTGGTTAGAAGAGTATATGCTAATTTCTTCTATAGGGGCTTTTTTGAGCGAATATATTTCTATG  
GAAAAATCGAACATCTTGTCAAAGTGTTTGCTAATTATTTTCGGCTATCTTACGGATCTTCAAGGATCCTTTGA  
TACATTATGTTAGATATCAAGCAAAATCTATTCTGGTTTCAAAGATACGCCACTTCTGATTACGCCTGTTCCCG  
CGGCAGGAATGAT

>trans\_c\_6675 EU678636|*Alstonia kurzii* 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTGCGAGTCTATAGCCTTGCCGACAGGCCCCGGGTAATCTTCTTTAAAGTAGCACTACCCCTATCTAGTAACG  
TTAACAACCAGAAGTTGCTCCTTAAGGATCATTGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTT  
GTACACACCGCCCGTCGCTCCTACCGATTGAATGGTCCGGTGAAGTGTCGTCTCGTACGCCACTGCTATGACA  
TCCCCTCCCTTCATA

>trans\_c\_6676 FJ113633|*Pinus taeda* isolate 5561 anonymous locus UMN\_4204\_02 genomic  
sequence

AAAGGAACTTCTGCTCAAGAGCTTGCTTCTACAAGAGCTCTATTGATGAATTAACAGAAAAGCACTCGAGA  
GCCATAGAGTTCCAGTCTGTTACGGAAGCACGTCAAGTGGAGATGGACCAGAAATTACAGGAAGCCATTCAA  
AAGTTTGATCAGAGAGATTTGAGGCTAAAGACTTGAGTGAGAACTGAAGACAGCTGAGGAGCAGATAAA  
ATTGTTTGAAGCAGGAGAGAG

>trans\_c\_6677 Novel Gene

GAGACCGTCAATCGCTATGCACCTGCAATGTGAGGGAAAGGTGAAAAGAACCCTATTTAGGGAGTGCAATAG  
AGAACCTGAGATCCGATGCTTTCAATCAGTCGAAGGAGCGGCAAGGGAAGTGAAGTCTAAGAGAAAGTCAAG  
CTATCTCACTCTAACGGCGTACCTTTTGCATGATGGGTCAGCGAGAAAATGGGAACACGCCCTTAAATTGGGC  
TTGTGCTTATAGGGAAGTCT

>trans\_c\_6678 GQ916674|*Hypnum cupressiforme* 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene,  
partial sequence; chloroplast

AAGAGGAGTCTTGGCTTTTTTGAGAAAGAAGCTAGTCGGTTTGGGGCACGGCCGTTATTTGACACAGATCAG  
CCGTGGAAAAAAGCAAAAGGCTAAAGACGTTGTGATTTGCTGCTGTTAGATCGTGCTCGTTACCCCGATAGTG

GCAGTACCTCTATTATTCTCATCAGGTTTTTGGCCTCGGGTGCAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGT  
TGTCCATCGACTACGCC

>trans\_c\_6679 AY968420|Schizopepon bryoniifolius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGCATGGACCGATGCGGATTGAGACGGCGGCCTACGCCAGGCCTTTGTTACGCCTGTGGAGACGTCGCCGT  
CACGATCGTGGCTGGCAGCGCGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCTGCGCGCTCCTGGCATCGGCCTGTGG  
GCTCCCCATTGACCCGTCTTGAAACACGGACCAAGGAGTCTGACATGTGTGCGAGTTAACGGGCAGACGGG  
TTTACGGAATATGGTTCCAT

>trans\_c\_6680 Z35117|Vicia faba var. minor mRNA for alpha 1,4-glucan phosphorylase type H,  
(VfPho2 gene)

GTTGATTTTGTGTTTGGATTCTGAGTATGTCGAGTGGAATTCCAATGGTGCTACTGTGGTTTCCACTGGTTCTA  
CGAAAATTCCTGCAGTTGCGCATCCCTTAGCGGAAGAACCGGATGAGATTGCGTCTAATATCAAATATCATGC  
TGCTTACAGTCTCATTTCTCTCTTCAAGTTCGAGCCTGAGCAAGCGTATTATTCGACTGCTGATAGCGTTCCG  
CGCGCGGCTTATAC

>trans\_c\_6681 BT011673|Arabidopsis thaliana At1g25682 mRNA, complete cds

TGCATGAAGTTCCTTCAAAGTTTGAGAAGAACCGTAGGGATAAACGAGCATTGATTCATGCTTCCTCAATATT  
TAATGGATCATCCACTTCTTCCATTCTGATAAGAAACGATTGGACCTGGAATCCAAGAGAAGGAAGATCTGT  
GCATCTGCGGCTTCAAACATACTGACAGGCAACTTCAAGCCATCATCTTGGTCTCGAAGTGCAGCTAATTCAT  
CAGAATTGAAGGAAC

>trans\_c\_6682 NM\_104906|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein  
(AT1G62260) mRNA, complete cds

AATATCCATTTAAAAGCTATTGAAAACAACAAAGCCAACAATGTCAAGACAGAACAATGGAGCTGAATCAGTA  
GCAATTACAATAGACACAACAGAAACAGGTCATGAGAAGAACAAGATGATGAACAACAATAATTGGATAAGA  
GAAGACACAGATTTTCTAATGGTAGTAACGACATTATTGCAACCGTAGCATTTCACCGATTTCATCCAAATAA  
AAACAATACGCAATGGA

>trans\_c\_6683 GQ998726|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase  
CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

TTTATACTTTACTTGTTTTCTTTATACTTGGTCTTGAAGTAGAAAACGTTCCATCTGTTCTGAATAGCTTCTTT  
CAAAAGGGCTTCCGCTTCATTGGTCAATGTCTTCGTAGAAGAGATTATTTCTTGAAACTGAGGTTTATTCACCT  
TTTCTTTTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGG  
CCAACAGAATA

>trans\_c\_6684 NR\_022860|Arabidopsis thaliana (U2.3) ncRNA

GGCTGCTGTACGGCACCTTATTCTTTGTATAACTTAAACCTACTGCTGTACCATACCTTTATCATAGATCCCTA  
AAAAAAATTTTAAATTGGGTTGGGCCCTCCCCCTAGAAAAATAAATTTAATATCATGTGGGCCGATGGCCCA  
CGTATCAGATATTAACTGATAAGAACAGATACTACACTTGATCTTAGCCAAAAGGCCGAGAAAGGTATTCTG  
CGGGCCCCGACCATT

>trans\_c\_6685 Novel Gene

AAAAAGTTCTGGATCTGAAAAACCGAAAGATTGAGTTTAATAAAGTAGGGGTCTGAGTCAGTTACGGAGCAG  
TTAAATAATCTCTCAATAGGTTTGAGAAGCAAGCATTGAAATGGTTTTAGCGCCCTCGTTCTCAGCCAGATAA  
GATAAATAGGAAAGAAGGAGATAGAATTTTGCATTTTCGCTAAGAAAAAGAAGAAAAACATATGTCAAAT  
CAGTCAAAAAAGATCTTT

>trans\_c\_6686 HM363070|Chasmanthium latifolium cytochrome f (petA) gene, complete cds;  
chloroplast

GAGTTTGTGCCAAAATAACAGATGCAAAAAAGAACAAAAGGCCTTGGACACGTAATGGATCTTGAAGGACGA  
TTTCCGCATCTCCCTGACCAATCCTCCACATTAGGATTACTCGTTAATGGTTGATCAAGTTTGATGGATTGCG  
CCTCTGAAACAAGAAGTTCTGGTCCTGGAGGGATAATATCAACCACTTGACGCCCATTCGCTGCATCCACTATG  
GTTATTTTCATATCCT

>trans\_c\_6687 AY189072|Gymnophyton polycephalum 26S large subunit ribosomal RNA gene,  
partial sequence

CTGTCTTAATCGACCAACACCCTTTGTGGGATCTAGGTTAGCGCGTAGTTAGGCACCGTAACCCGGCCCCCGG  
TTTATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGAGCTCTCGATTCCGTGGTGTGGCTCAAC  
AAAGCAGCCACACCGTCCTACCTATTTAAAGTTTCTCCGCTTTCGAGGGCGTTGCGCCCCCGATGCCTCTAATC  
ATTGGCTTTACCCGA

>trans\_c\_6688 NM\_118031|Arabidopsis thaliana ERD3 (early-responsive to dehydration 3) (ERD3)  
mRNA, complete cds

CCTCTTCAACTTAAACCGTTACCTTCCAGGAATGCAGCAGTGATTACCAAGATTACACTCCTTGACAGATCC  
AAGGAAATGGAAGAAGTATGGTTTGCATCGGCTTACTTTCATGGAACGACATTGTCCGCCTGTGTTGAAAGA  
AAGGAATGCTTAATTCACCACCAGATGGGTATAAACCACCAATTAGATGGCCAAAAGGTTCCCGTCTGCGG  
TGACACCTTGTGTT

>trans\_c\_6689 XM\_002871031|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin-dependent glutamate  
synthase 1 (GLU1), mRNA

GAAGCAAACCTAAGAGTTGGGGAAGTGAGCTATATTTCTGTTCTTTGTCAAACCAAACCTATAGTTTACAAGG  
GAATGCTTCGCTCAGAGTTCTCGGATTATTTTATGATGACCTCAGAATGATCTCTATAAATCCCCCTTTGCCA  
TTTATCATCGAAGATATAGTACAAATACTAGTCCTCGATGGCCTCTTGCTCAACCAATGAGGTTACTGGGTCAT  
ACTGTCTCAGCT

>trans\_c\_6690 Novel Gene

AGGAGTAATGATTAACAGGGACACAAGCAATGACGAACTGGCCATAGTTATTGTCGTTGGTTTGAACGTGTG  
GTCGTCCGATTAACATAAGACGAGACTGAAAGGCAGACGAGACTCAAGCAATGACGAAAGTTAACGCTGGCG  
GTGATGGTTGGGTCCATGTGTTGATGAATCGGCCAGCCTCATCCTGTGCGGATACAAAACAGAGGGGGCAAT  
TTGAGATGACGCACTAGA

>trans\_c\_6691 XM\_001696734|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AAATTCTTTGAACCGCTCATCATTTTCAGTCGAGTTATTTATAATGCACTCCTTCGTGCAACCTTTACATAAGCT  
ACGCCCTTCTTCATTGACTCCTTCTTAGTCGACTTCTTCGAACCTCTATTTGGAGTCGTCCGGAGGTTATGAAA

TAGCTCGACTGTAAGGAGAGGGGAGAAGCGAAACGACTGTATCTAATAGGAGTGGTATTATGAAATAGCTCT  
CCAAATAATAA

>trans\_c\_6692 XM\_001701042|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GACGGCCAGTAGGGAGTGTAGGAAACGTCCTACAGGAAGGGGGTCTCGAAATCCCGATAAGAGGACAGGA  
GATATCATCTTCGCTCATCGGGGAAAGATTGAGAAAGGATATAATTCGCGATCTGGGGGGGACTGAAGGTCA  
TGGTTTTGAAATGAGGTGATCGACTGACTCCAAGTGCTTGGATCTGAGAGTCTCTCTACCTTCCAAAGAGGAG  
CAAGGACCCTCCTTTCCA

>trans\_c\_6693 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

CTTCCGTTGGGTAACCCCTTAACAGCGTTGCACTTTCATCGACCCTGATTTCTTCATAACTCATAGCCTTTAAAT  
CATTTCCAACAACGCGAGTTAATAGCTGCGTTTTAATGACATGGCATAGTCCAAGGAGTGCAGGTAAGGTAAA  
CCTGGGACAGCAAGAAACACTTGTAAGATAATCTACAAAGCGATGAGAACAAGCTAATGTTCTTCCCTCTTA  
AACAAATTCTTCG

>trans\_c\_6694 EU930858|Juglans ailanthifolia marker CAPS05 genomic sequence; plastid

TTTTTGTAGGCACGTCCAACCAATTCTAACTATACAAATAATTTTTTTTAACTATGTTTAATGGATACTTTTA  
GCTCATGATTCTATTTAGTTTTTAACTATGATTCCTTTTTCTAAAAATTCGACTTTTACAGTTTTCGATTTTTC  
ACCAACAACGTGTTATCCCATACATATATCTAGTCACAAGTTATGAATCATAGAATGATTATTCGATTCTTTTTG  
CTCTGG

>trans\_c\_6695 NM\_001056471|Oryza sativa Japonica Group Os03g0314800 (Os03g0314800)  
mRNA, complete cds

CAACTGTCTCTGTTGTTGGTTAGAGTTGGGAGAAAACGTGCGACTGTTACAGCCCTGGACAAGGGTTGATGCC  
AGCAAGTTTCAAAGTCAGAAGCCAACCTCTTGATGGAAGCGATGGAGCTTTCGAGGAAGTTCTTGATCCTGAT  
TTTGGTGAATCTGCCATTGGTCGTGTTGCACCAGTCGACTCTGGTAACATGTGGATTATTTGTTAAGAGCTTA  
TGAAAAGATGTGT

>trans\_c\_6696 U37437|Ipomoea nil PNIL34 mRNA, complete cds

GAGGGTGCAGCTAGTTCTTTCACATGCATGTAATCATTGAGACTAACCGAACAACGGCAAGAATCTTCCCAGC  
CGTACCAGACGTCGAGAATCCCGAGTTCAAAAGGAACTGGACAGGATGGTTGAGATCAATGAGAAGCTGAT  
TGCTGTGGGAGAAACCAATGATCTTCCATTGGTGAAGAACTTGAAGAGGATTCCACTTCGACGTCGTAACCAT  
ACTGAGCTTTTGGGA

>trans\_c\_6697 DQ226756|Boechera divaricarpa isolate SLW-D-E01 mRNA sequence

ACCAGTGGATACAGATTCCACGCGTTACGCACCCGTTCCGCACTTTGTTCTCAACTCTTCCACCTTGAAAGG  
CGAGACAAAGCGTTGAGCCTCTTTTCCTTGCCTAGCTCCCACTGAACGTTGACTTGCATGTGTTAAGC  
ATATATAGCTATGATGACCACTGCAAATACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGC  
TCGGTGGGAAT

>trans\_c\_6698 AF530460|Striga hermonthica asparagine synthetase (AS) mRNA, complete cds

ACTGCATGCCACGCTTGGACCTCCTCGGACAGTTGATCTAGCAGCATTCTTTGGGAAGAATTTCTCAAATATTG  
TTCGGTGGTAATATGCTTCTTTAGTGGTAGGAGTATTTCTGGGTAGATAAAGTTAGCATTCACCAACATGGA



ATCAGTCACTTGTTTCTCTGCGTGATCCTTCAAACCGTCAATCCAACGTATCCAACACCGTCACTGAATTGTTCTTTTGCCTGT

>trans\_c\_6699 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete sequence

TTATGTCACCCAATTGACTGCCCCGGGGTGGAGTCAAAATCATGACATGAAACCGGTTAAAACTCCACCATAA  
CCCAATGCAAATCGAATGCACTAGTAAATCACATGGATCTAGGAACGACTTACTGTATTTTATTTGTGGACAAG  
CTAGAGTTTGAGAAACGAAGATCTTTGGTAACAAACATTGTAAACATTCTCAAATAGGAGGGGAGTGGAACG  
AGTTCCGCTCCTGC

>trans\_c\_6700 X07237|*Vicia faba* genes for cytochrome b and ribosomal protein S14

ACGGCCTTAGGTATTTCTACCGATCTATGCCATTCTTCGTAGTATACCTGACAAAGCGGGAGGTGTAGCCGC  
AATAGCACTAGTTTTTATATGTCTCTTGGCTTTACCTTTTTCTAAAAGTATGTATGTGCGTAGTTCAAGTTTTCGC  
CCTATTTACCAAGGACTATTTTGGTTGCTTTTGGCGGATTGCTTACTAATAGCCCAAGCTAAGCACTCCAAGTG  
TTCTTACAAC

>trans\_c\_6701 AY968418|*Neosomitra sarcophylla* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGAACCGGGGAAGAGCCCAGCTTGAGAATCGGGCGTCCTCGACGTCCGAATTGTAGTCTGGAGAAGCGTCCT  
CAGCGGCGGACCGGGCACAAGTCCCCTGGAAGGGGGCGCCCGCTCTCCACTGAGCCCCGTTGCGCTCGGACC  
CTGTCGCACCACGAGGCGCTGTCAACGAGTCGGGTTGTTTGGGAATGCAGCCCCAATCGGGCGGTAAATTCT  
GTCCAAGGCTAAATAT

>trans\_c\_6702 FR696365|*Hordeum vulgare* mRNA for vacuolar processing enzyme 3 (vpe3 gene)

GAACTCATTTTCCACCAGGCTGATATCTGCCATGCTTATCAATTGTTGCGGAAAAACGGGCTAAAAGATGAGA  
ACATCATAGTCTTCATGTACGATGACATTGCGTTCAATCCAGAGAACCCAAGACCTGGGGTCATCATCAACCAT  
CCAAAGGGTTCTGATGTTTATCATGGAGTCCCCAAGGATTACACTGTTGTACATGGCCATGTCCACCAGGGG  
GGTATCACCCAG

>trans\_c\_6703 XM\_002865486|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* metalloendopeptidase, mRNA

CCACCTTTGATAGAGTATTAAGGCATCGAGAACAGATGGAAGTAGATCTCCATCAGAATCCTTTGTGCTAGT  
TGGTGAATGTATATGAAACACAGTATGGTGGAAATCAGTGTAGGCATTAGATCGTGCGCCTGTACCCAAAAG  
CTTTTACGTTTCTTACTTCCAAGGAAGGCTACATGCTCAATCATGTGTGCAATTCCTTGCTCGTCATCTTCTTCA  
TCAATTGAACC

>trans\_c\_6704 Z14078|*T.aestivum* mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

CTTCACTTCAAGAGTGCGACCTTACTCCCCAGGCGGAGTGTTTCACGCGTTAGCTGGGGCCCTGATCCGCCTA  
GACCAAGGGCGAACACTCATCGTTTACGGCATGGACTACCAGGGTATCTAATCCTGTTGCTCCCCACGCTTTC  
GCTCCTCAGCGTCAGTTACAGACCAGAGAGTCGCCCTTCGCCACTGGTGTTCCTCCACATATCTACGCATTTTAC  
CGCTACACGTG

>trans\_c\_6705 EF207455|*Rhodoleia championii* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGTGGACAAGTATAGCTAGATAATACCGC  
CTCTGCATCTAGCATTGGGTAGACCTCATACAATACTGTCCTAGCTCTACCGTATCTTTGTTTTATTTCTTCTG

GAACAATCACAAACACTTTTTTGATTATGGATCTACTACCAGAACTCAATGCGTAATCTTAGCATTCAATGTG  
TATTCCTTT

>trans\_c\_6706 Novel Gene

TCGATAGCTCAAGGGCGGTGACCGACGATGCTATGATTGAACCAAGAACAAGCTTTTTACATCTTGATAGGA  
ATCTGTTTATCTTTTTTCAGTAGATTACAGAGCCGTTTTGTGTGATTACATTCATCGATGATGAAACAATCTA  
TTTTGTTATCCTTGCACTTTGATTTACAGTGAAGAAAATCGTCTCAACCATAAACGATGCCGCCTGGCCGTAC  
AGCAGCCTCT

>trans\_c\_6707 AB024716|Oryza sativa mRNA for ferredoxin-dependent glutamate synthase  
precursor, complete cds

AAGGTGCAAAGCCTGGTGAAGGTGGCCAATTACCTGGAAAGAAAGTTAGTGCCTACATTGCGAGGTTGAGAA  
ATTCCAAACCTGGTGTTCGCTTATATCTCCACCTCCACATCATGACATTTATTCTATAGAGGATCTTGACAGT  
TAATATTTGACCTTCATCAGGTGAATCCAAAGGCTAAGGTATCAGTGAAGCTGGTTGCTGAAGCTGGAATTGG  
AACAGTGGCTTC

>trans\_c\_6708 AJ430977|Rousseia simplex chloroplast tRNA-Leu gene for transfer RNA-Leu and  
partial tRNA-Phe gene for transfer RNA-Phe

GTGAAGACGACTCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGGGGATAGAGGGACTTGAACCCTC  
ACGACTTTAAAGTCGACGGATTTAAAGTCCGTAGCGTCTACCGATTCGCCATATCCCCCTCCCTTTAGATTAG  
TATCGCATTATGATGTCTTCCCCGTTTTCTTTCATTTGTATTATACTGGAACCACTCAAGTCATTAGAATACCG  
ATTCCTCTATT

>trans\_c\_6709 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

AGGATCCCAAACCAGAAAGAATTCTGGGATACCTATCCAGAAGTTTTCGCAACTCAATCATGTATGATGGAA  
TCATCAAAGATTTGACCTTTTGAAGTCTGTCTGTAAGTCACTATAGGCTCGAGAAACAAAGAGAAGATGTGTA  
CGAACGAGATATACAGCAATAAGAAGAAGGAAAAGGATTGAATAGAGGAACTCCCGAACATTTGGCCATCTC  
AGATGTGTGCGATA

>trans\_c\_6710 DQ438948|Withania somnifera 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTTTTTGTGCGAAAACGTAAAAAATCAAAGATAGAATCAAGAACGAAAGTTGGGGGCTCGAAGACGATCAGA  
TACCGTCCTAGTCTCAACCATAAACGATGCCGACCAGGTCGACCGCCTGTGGTGTTTAAGGGGGGGTAGTTTCG  
ATCGTGGAATTTATTTTTTCTGTATTCCGGAATATGAGTAAAGTGTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTTGAA  
ATTCAGGCGATTG

>trans\_c\_6711 XM\_002308766|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS52),  
mRNA

AGTGGCAAGGAGGAACTGGAATCAAGTGGTTGAAATGATTCCTAAACTAAATCTTCAGGACACGCTTATCCAT  
TGTGCCCAAGCGATTCATGATTCTGATCTAAACGTGGCAACACTGTTTATGGATGTTTTAGGGCAGATGGTTTC  
CGTCTTTGGTGATCCAGCCCAGAGAGTGGGAGCTTACTTGTGGAAGGGCTTAGAGCGAGGTTGGAACGATC  
TGGGAGTTACCCG

>trans\_c\_6712 FN870624|Papaver rhoeas mRNA for legumain/vacuolar processing enzyme (vpe1 gene), cultivar Shirley

AGAAGGCTCCCTGACGAAAGTCGAAGCTCAGAAGAAGTTCGTAGAAGCAATGTCCCATAGAGCTCATATCGA  
TAACAGTGTGATGCTAGTTGGAAAGCTGTTGTTTGGAATTAAAGAAGGTCCTGAGGTGCTTGAAGCCGTCCGT  
CCCACAGGACGACCCGTTGTTGATGACTGGGACTGTCTTAGGAATATGGTTAGGAGCTTCGAGGCACGGACA  
CCTAGAGTTCTATTG

>trans\_c\_6713 Z29101|L.esculentum mRNA for signal recognition particle 7S RNA (variant D)

CACCGCACTCTGTGGGTGGTAACGCTGCTCTGTGAATCCAGCCTCACGCGGTGCCCTGGTAGAGGCATCTACC  
GTTTCAGAAACCAAGCATGATCTCTAAAAAGGCCAGCTCACAACCTTGAATGGGCAGGCCAGCAATCATCTCA  
GTAAAGCCCTACACGGCGGAACGAACCAACCTTCAACCACCTCAGACACCCCACTTGGGTTACAAGCTCCCAT  
TACAGAGCTCGGC

>trans\_c\_6714 AB364662|Camellia pitardii var. yunnanica chloroplast DNA, atpI-atpH spacer region, specimen\_voucher: No. 756 (NIFS)

GGCCTCGGGGGGAAAGGGTTTCAAAAAACGAGAAAAAAGGATTGGGTAGGGTAGAGTAGAGGAGAGTGG  
AGTCAACTAGATGTATTGAATCGAATTGCTATAAGACAACCCTTGTGGATATTTTGAAGAATGATTCTCAAATT  
CGATGGAATCCAAGATATGAATAATTGGTTTACGTTAGGGAAGAAACACATGTATATGTTATATTAGATATTA  
ACTAGTTATATAGGA

>trans\_c\_6715 Novel Gene

TCAGACACGGCGGGAACACGTGAAATTCCGTCGGAATCCGGGAGGACCATCTCCCAAGGCTAAATACTCCCT  
AATGACCGATAGCGTACAAGTACCGTGAGGGAAAGGTGAAAAGAACCCTATTTAGGGAGTGCAATAGAGAA  
CCTGAGATCCGATGCTTTCAATCAGTCGAAGGAGCGGCAAGGGAAGTGAAGTCTAAGAGAAACAGCTCGCTT  
GCAGTTGGGATGAAGC

>trans\_c\_6716 AY173934|Cucumis sativus ATPase subunit III (atpH) gene, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

CCAGGGGGCGCAATGTGCGTTCAAAGACTCGATGATTCAAAGCTTCATGGCCGTGTGCAAGTATCGCATTTTCG  
CTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGCAAATAAAAGTGCTAATGCTA  
CAACTAGTCCATAAATTGTTAAAGCTTCCATAAAAGCCAGACTAAGCAATAAAGTACCTCGGATTTTCCCTCC  
CGCTCTAAACA

>trans\_c\_6717 XM\_002868715|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata proteasome maturation factor UMP1 family protein, mRNA

AATGCTGGGATTGGAGGCTCTTACTGGAAGCTTGGATGACTTTGGCTTTGAAGATTATCTGAATGACCCAAGG  
GAATCTGAATCATTGAGGCCATTGGATATGCACCATGGAATGGAAGTCCGCCTTGGTCTGTCCAAGGGACCA  
GTTTGTCCAAGTTTCATGTAATCTAATCTAATCTAAGAGGATCCCATCAAACACCACAATTTCAAATAAAACCCC  
ACTGGATGGGT

>trans\_c\_6718 AY968414|Gurania tubulosa 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGTCAGCAAGGTTGCGCCTTACGGGTTTACTCGCCCGTTAACTCGCACACATGTCAGACTCCTTGGTCCGTGT  
TTCAAGACGGGTCTGAATGGGGAGCCACAGGCCGATGCCAGGAGCGCGCAGATGCCGAAGCCCGCCAGAAG  
GCGCGCGCTGCCAGCCACGATCGTGACGGCGACGTCTCCACATTATGCCACCCTTAAGTTTATGCTTAATAAT  
GAGACCGAATAT

>trans\_c\_6719 NM\_001053197|Oryza sativa Japonica Group Os02g0314600 (Os02g0314600)  
mRNA, complete cds

GGTCTCATTTTCATTTGAAAACACACCCACGAAGGACTATCCTCCGGATTTCTTGAGTTTTTTCACAGTGTCTTG  
GATTTTCATTTCTGGGTTTAGGGGTTGGATTTGTGTCTCTGCATCTGATCGGTTTTTTGTCTTCGGGGTTTCAG  
ATGGAGGAGAACCCAACTGAGATCAACAGCTTCTATGTAATTTCTAAGCTTAACCCTTATGACTTGAACAAGA  
AAAGAAAGC

>trans\_c\_6720 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

CAAAATGAGACCCGCGTGGGTATATAAAAAAACGATTTATTCTTCTTCCACTATTCTTTCTTTTCTTACGACA  
CGACAATCGAATCTAGATTTTCGGATTTTTCGAACAAAGAATCAATCTGCGGTTGAGTTTGGATTAGAAATTTTA  
ATTCAATTAAAGAGTAAGCTAAGTCTATTTATTCCTGGTTCTAAGACCAATAGTTCTAGCGGTCGACTCGCTTC  
CCCTGGGC

>trans\_c\_6721 EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

CCTCCATGGGTTACAGACGTGAATTGTGCGTTGCCATTAGAAGAAGCTCGTATATGTTCTGCAGTCCCCCTGT  
GAATACTCCGCCGGTATGAAAAGTTCTTAATGTTAGTTGAGTACCCGTTCTCCAATAGATTGACCCGCAATAA  
TACCTACGGCTTCTCCCAATTCTACCAGGTCCCGTGAGTAGAGTCTACTTGCGGTGCGGCAACGCTGACTCT  
TGCTTTAAG

>trans\_c\_6722 EU814670|Acorus americanus isolate 2.25 NADH dehydrogenase subunit F (ndhF)  
gene, partial cds; chloroplast

GGTTCTTATTTATAGTGACAATTATATGTCTCATGATCAAGGATATTTGAGATTTTTTGCGTATATGAGTTTGT  
CAATACGTCAATGTTGGGATTAGTTACTAGTTTGAATTTGATCCAAATTTATATTTTTGGGAATTGTTGGAA  
TGTGTTCTTATCTATTAATAGGTTTTTGGTTCACTCGACCTACTGCGGCAGGCAGAACACAAAAAATGCCACG  
TGATTGAT

>trans\_c\_6723 GQ998490|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 RNA polymerase  
beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

GTGGGGGAAACTCTGGATCCATCTCACATCAATAACTCGACCCCTACCGCCGATAGGTAGTTTTAGACAGGT  
TTCTTTTGAAGTGGATACCTGAATGCCAAGTATGGCTCGTAATAATCTATCTTCCGGGGCATACGATGATTCTT  
TCGACATCTGAGGCGTTAATTTACCTACTAAAATATCGCCCGTCTCCACCCACGATCCAGCATAACAATTCCAT  
TTTTGTCT

>trans\_c\_6724 AY110442|Zea mays CL1457\_1 mRNA sequence

GTAGCAATTACAATAGACACAACAGAAACAGGTCATGAGAAGAACAAGATGATGAACAACAATAATTGGATA  
AGAGAAGACACAGATTTTCTAATGGTAGTAACGACATTCATTGCAACCGTAGCATTTCAAATCGGGACGAACC

CGCCCCACCGCATACCGTTCTTCTGCTATTTGTCCCCTTCATGAAACGTCCCTTTAGGTATTACCGATGGGGGC  
TCTTCCTCAG

>trans\_c\_6725 EF470305|Phoenix dactylifera cultivar Zaghloul 16S ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

AGTGCTACAATGGCCGGGACAAAAGGGTCGTGATCCCGCGAGGGTGAGCTAACTCCAAAAACCCGTCCTCAG  
TTCGGATCACGAGCTGCAACTCGCCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGGCGG  
TGAATTCGTTCCCGGGCCTTGACACACCGCCCGTACCACTACGCCTTGCCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGA  
GACGTCTTGTGA

>trans\_c\_6726 FJ415443|Pinus resinosa dehydrin 3 (dhn3) gene, partial cds

AGCGAAAGGACTGTATTATTATAAATTCAGGAGTGCAACGAAAGAAATCCATATAAATAGAAAATCAAGGGC  
TCCTTCTTTTATTATAATTCAGTCCTTTGCCTTCTGATTCAACCCTTATTATCATCATTGACTCCTTATCAGTCGA  
CTTCTTCGCCCCGTGGGAGTCGAGTTATTCATAACCTCCTTTATCGTCTTCTGGCTGATATAACTGCAAGAAG  
ACAAAG

>trans\_c\_6727 NM\_001050084|Oryza sativa Japonica Group Os01g0611000 (Os01g0611000)  
mRNA, partial cds

CGGACTGGGGGGTTCTGCCGGTGCAAACCCTTTACAACAGCAATGGCTGGGACTTATACGCTTGGGCCTTCCA  
AGCCGAGTCCGACGAGGTCGTTATTCTCATCCATAACCCTGGCGAAGAGGAAGATCCAGCTTGTGGCCCTCTC  
ATTGACGCCATTGCCATTAAGACCCTCAACCCTCCTAAGGCCTCCAATGATAATCTGGTGAAAAAACCCCTAAG  
ATAAGACAAA

>trans\_c\_6728 AF260734|Cucurbita pepo chloroplast NADP-dependent glyceraldehyde 3-  
phosphate dehydrogenase B subunit (GapB) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

CTAACATCATTAGCAATGCCTCTTGACCAACCAATTGCCTCGCTCCATTTGTTAAGATCATCGACGAGGAATTC  
GGCATTGTGAAGGGAACCATGACAACAACCTCACTCCTACACTGGAGACCAGAGACTTTTGGATGCATCGCACC  
GTGACTTGAGACGAGCCAGGGCTGCAGCTTTGAACATTGTCCCTACAAGCACTGGTGCAGTGGGAATCACAC  
TGTCACACAC

>trans\_c\_6729 AB075581|Chamaecyparis obtusa hemA gene for glutamyl-tRNA reductase HemA,  
partial sequence

CGAAGATTTTAGCATGTGCTGCAGAAGCGGATGTCATCTTCACCTGCACTGCTTCAAAAACACCCTTATTCACG  
AAAGAACATGTAACGATGCTCCCCCTGCAGGTACAGAAACAGGAAGACGTTTATTTGTGATATATCAGTTC  
CGAGGAATGTTGAGCCATGTGTATCAGATCTTGAGACCGTGTCTGTCTTCAATGTGGATGATCTCAAGGACCA  
CCAAGCTGGA

>trans\_c\_6730 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

TTAATCCGGCATGGGCTACATGAGCCCCAGTAGTTTACCGGCGCCCGTCGCCTGATTTACGGAAATTAAC  
AACCTATCCCAATTGTTGGGAGTGGTCACGACCAGCTAAAGCTAAAGTTCCATTAAGAGCGTTTCCACGGGG  
TAGAACCTCCTCATTTGCACCCACAAATGGGCGTTTTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCA  
TCGCTCGGTG

>trans\_c\_6731 EU188457|Leucaena leucocephala coniferrin beta glucosidase mRNA, complete cds

GCCAAGTCACTGATGCACATGCTGATGTTTCAACTGATCGAGATGGAGTTTCAAGGGGTCCAAAGGTGAGGA  
AAGATTCTTGGCTTGCAAGTTTATCCTCAAGGATTGAAAGATCTCATGATACATATAAAGAAATATTACAGAGAC  
CCACCCATCTACATAACAGAAAATGGATATCTTGACTATGATTGTCCCAACGTTGAGAAATTAATCAAGGATG  
AGGGCCGAGGG

>trans\_c\_6732 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGTGAGCTATTACTACAGAGGGACCCGCTAAGCATCCATGGCTGAATGGTTAAAGCGCCCAACTCATAATTGT  
ATCGCCTATAGGTTCAATTCCTACTGGATGCACGCCAATGGGACCCCTCCAATAAGTCTATTGGAATTGGCTCTG  
TATCGATGGAATCTCATCAGCCATACATAACGAATTGATGTGGTATATTCATATCATAACATATGAACACATTA  
GGTGACCA

>trans\_c\_6733 XM\_002888563|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

GTCTTCTTTAGCCTCTGGACTTGAAATGTCCGAGTCATTAGCCTCTCTGTTTTGCCAAAGCATTTACACCATAA  
TGTAAGTAGAATTGTTAGATAATGAAGATAATGGCCAGCAAGGAATATCTATTTTACGATGGGCAGGT  
GGAAATACCTCGCCAGCTAATGAAGGCGAGATTTAGATGAGAAAGAAATACTAAGAGAACAGAAGATCCCA  
ATTACTGAA

>trans\_c\_6734 DQ667962|Vitis vinifera 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACAATTGTGCGAATCAACGGTTCCTCTCGTACTAGGTTGAATTACTATTGCGACACTGTCATCAGTAGGGTAAA  
ACTAACCTGTCTCACATCATTGAGCCCCCAGCTCACGTTCCCTATTGGTGGGTGAACAATCCAACACTTGGTG  
AATTCTGCTTCACAATGATAGGAAGAGCCGACATCGAAGGATCAAAAAGCAACGTCGCTATGAACGCTTGGC  
TGCCACAAG

>trans\_c\_6735 AY832610|Pseudotsuga menziesii var. menziesii haplotype Pm-AT1\_412m2 alpha  
tubulin 1 (AT1) gene, complete cds

GGTTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATATTCTCTCTGGCCCTCCTCTCGTACTTGGGATATCAATCGGTTCAA  
GTTGGTGTAAGTTGGTCTTTCAATATCCAATGATCTCCTACAGATATCGTAAATGGCTTCATTGTCAAGAAGAA  
CAGCAACATCTGTGTGTTCTAGCAGAGAATGAGTGGAAGCACACTGTTGTAGGGTTCTACCACAGCAGTAG  
ATACCTGTG

>trans\_c\_6736 U90212|Nicotiana tabacum DNA binding protein ACBF mRNA, complete cds

TGTTGCAACACCAAAGAAAGCATCTGGATATCAACAAGGTTACGCTTCGCAAGCTTTGGTACTGGCCGGTGGA  
CATCCCAATGGCATGGCTGTTTCAAGGTTTCAATCAGATAGCGAGTCAAACAACACAATATATTTGTTGGTG  
GCCTCGATTCTGATGTTAGTGATGAAGATCTCAAGCTAGCTTTCTTAAGCCCAACAGTCAATAGAGACTGAAC  
TCAGTGTCT

>trans\_c\_6737 EF213076|Elaeis guineensis cultivar Tenera calmodulin-like protein mRNA, partial  
cds

ACGATAGTGAAGGTTGCGGGTTCATAACTCCGAAGAATTTGAAGAAAATGCTAAGGAAATTAGGGGAAAGG  
AAATCGACGGAGGAGTGTAATGATGATTCGTCGCTTCGATTTGAACGGTGACGGTTTGATTAGCTTTGAGG

AGTTTCAGATCATGATGGCTTAGCCAACTCTGTACATATATATCTTCATAAAAAAGTAAATTAATTAGACGGACG  
GGGATAACAC

>trans\_c\_6738 GQ998803|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C cytochrome c heme attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

TTTGAAGGTGTAAATTCGCAATTGTGGCCTCTATGGGTTTTCTTATAATTTGGATATGCTATTTTGGGGTCAAT  
CTATTAGGGATAGGGCTACATAGTTATGGTTCATTTACATTAACATCTAATTGAATTCATTCACCTCCCTTTAAGT  
CATCCAGTGGGTGTGGGGAACTGATGACACTTTCCCAAATGATCGACGCTGATTATACTATGCTGGTGTTTTT  
TTAC

>trans\_c\_6739 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

AGTAGAGTTTAACCACTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCGGGTCCGCAGGACCTCCCCTA  
CAGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGAC  
ACCAGAATATCTCCCTCTTCTTTCCCCCTTACGTCTCTCCCTACGCGGTTAGCTGTCGGTGTCTTAAACAATTC  
TTGACT

>trans\_c\_6740 AB259819|Glycine max GmICHG mRNA for isoflavone conjugate-specific beta-  
glucosidase, complete cds

CTCAGTTTTCCGGTTGGCAAGACTCTGGGCCAGGAAATTGAGAACCTGTAGGCATCAAAACCCGCGTTTCCTA  
TAATGGCAACATCTTCCCGATACCGATGATATTGATCAACTGCTACATCTGCATTACTACCATCATCAATTCTCT  
CTGGGTGTTGATGAGTATACGTATCCCATATACTTGGTCCTCTCCCACTTAAAAGCAGCACCTTCATATTGAT  
AAGCA

>trans\_c\_6741 U79114|Prunus persica auxin-binding protein ABP19 gene, complete cds

CGGAGCCAACAGAAACAAAAGAACAGCCTTTAGCTTTTTGATGAGAACTGGGTCAAGGAAAGTGGTCTTAGA  
CACCAAATCAGTGCTCAAGTCGTTGGCAAATAGTGCGAAGTCGAGGATTTGGAGACCAGGGCTTGGGCTACT  
GAATACAGGGAAACCAACTGCCGTTACGCCACCGGCATTAATCTGAAAATGTAGCAACCTTGTGGGAATACC  
ATAAGGTCTCC

>trans\_c\_6742 GQ998725|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 acetyl-CoA  
carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

CGCGGCGTGCGCCAAGTTATACTGAAACTCTCACTTTGACTACTATTTCCACCTTCAGCACAAATAGAACTATA  
AATGTAAGTGTCACTGTAATTGTGACTACCACTTAAATGTAAGTATCAATACAGATTTGAGTCCAAAGATAAC  
TGTGTTAGACCAAAAGAGGGGCTCTTTGAAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATG  
AAGAACG

>trans\_c\_6743 AB026942|Tsuga canadensis gene for 18S ribosomal RNA, partial sequence

AAAGGACTCCGCCAGTGTTCCGCAGAAAATCAAAGTCTTTGGGTTCGGGGGGAGTATGGTCGCAAGGCTG  
AACTTAAAGGAATTGACGGAAGGGCACCACCAGGAGTGGAGCCTGCGGCTTAATTTGACAACACGGGGAA  
ACTTACCAGGTCCAGACATAGTAAGGATTGACAGACTGAGAGCTCTTCTTGATCTCGAAACAACAACATGC  
AATTACTCTTCT

>trans\_c\_6744 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

AAGAATTGAGAACTATTGGTCTTAGAACCAGGAATAAATAGACTTAGCTTACTCTAATTATGAATTTAAATTTCT  
AATCCAAACTCAACCGCAGATTGATTCTTTGTTTCGAAAAATCCGAAAATCTAGATTGCGATTGTCGTGTCGTAAG  
AAAAAGAAAGAATAGTGGAAGAAGAATAAATCGTTTTTTTTTATAACCCACGCGGGTCTCATTTTGAAACAAA  
ATAGCGC

>trans\_c\_6745 AJ250378|Capsicum annuum mRNA for chloroplast ferredoxin-NADP+  
oxidoreductase precursor (fnr gene)

GGTGTTTTACCATGGCGGGAGAGTTGCGGTGAGTCCGATTAGAGCTCAAGTGAACGAGGCTCCAGCGAA  
GGTGAGAAAGAGTCGAAGAAACAAGAGGAAGGAATTGTGGTTAATAAGTTTAAACCAAGACTCCATACAT  
CGGACGTTGTCTTTTGAACACGAAGATTACTGGCGATGATGCTCCCGGCGAGACGTGGCATATGTGCTACAGA  
TGTGATGTTTC

>trans\_c\_6746 Novel Gene

CACCGTTGACTTTAGCTCCAACGAAATCGGGGGCCTTCTCTTCTTCTCCTCGTAGTCGAGGAGCTCTTCCTCAT  
ATTGCTTGTCTCTTGTCTCTCCATTTCTGCTAGCCTGCTAAGAACTGAAGTTGAGAGTTAGGGTTGCGATTAC  
ACAAAGTCTGCAAACCTTTTGATTCTTAGCTGGAGAGAAATTGTTAAGACCTGGCTTTTCAAAGATCGTAGA  
GTGTG

>trans\_c\_6747 AB353307|Lotus japonicus BTB/POZ mRNA for BTB/POZ domain-containing protein,  
complete cds

TGTGCTTTTCGCGTTGCTCGATCATGTTTTCCAGCACCGATGAAACCGAGGCCAGTATGGTGGAATGCGCAGG  
TATACGAAGTCCAGCGGAGGTAACGATATGAATGTCAGGCTCCGGCAGCTCCTGGAAATCTGTTTTCGATCC  
TTGACTGCGGAGGCTAGGAAATGGGGGTGGATTTGGAAGGAAGATGAAGAGCTTCATGAGGGAAGATGC  
CTGGGGTCGC

>trans\_c\_6748 EF595946|Cucumis sagittatus isolate 2007-B39 tRNA-Gly (trnG) gene, partial  
sequence; chloroplast

GATTATAACAATCTTTCCAGTTATTTAGGGATTTCCCCGCCCTATTTAATATAATCCTTAGGAAAAGTATTTTG  
TTTCCGCCGAGCTAAAAAACGATGTCGACGTCTCTAGTAAACCAAGACATTGTTTAATAGCTATTTTGTTTT  
GCTTCAATCTCCCTATACAAAGAAAAAATTGAAGATTTAGTTACGATTAGAAAAAATTCCACCTTTATCCATG  
GATC

>trans\_c\_6749 NM\_105475|Arabidopsis thaliana FKF1 (FLAVIN-BINDING, KELCH REPEAT, F BOX 1);  
signal transducer/ two-component sensor/ ubiquitin-protein ligase (FKF1) mRNA, complete cds

AGACTTGCCTGGGCTTTTCTTCTACCCAATGGCACCAACTTCTTTCGTCTCTCTGATGCTCTTGAGCCCGATT  
CCCAATCATCTACGTCAACAAAGTCTTCGAGATCTTCACTGGGTACCGTGCCGATGAGGTCCTGGGCCAGAAT  
TGTCGGTTCTTACAATATAGAGATCCTCGTGACAAAGGCGCCACCCTTTGGTTGACCCGGTGGTTGTTTCTGA  
AATCA

>trans\_c\_6750 DQ535798|Cucumis bryoniifolius voucher Seeds leg. M. Wilkins 214b, cult. in Tuscon  
ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

GTCTATCAATAACAGCATGCATTGCACGGTGAATGTGAAGAAGTAGACCATTATCTCGGCAATAATGAGCCAA  
GCTAGTATTTGCAGTGAATCCACCTGTTAAGTAGTCATGCATTACGATAGGAACTCCCAATTAGATTTACCCGC



GCTAAAGGGTCATCATTTCTTCGCATGTACCTGCAGTAGCATTCAAGTAATGTCCTTTGATTTACCTGTTTCAG  
CCTGT

>trans\_c\_6751 XM\_002875876|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutamate-1-semialdehyde 2,1-  
aminomutase 2 (GSA2), mRNA

AGCCCTAGCTGAAACAATGAAGAAGGGAACCAGCTTTGGCGCCCCATGCCTTTTGGAAAATGTTTTAGCTGAG  
ATGGTGATATCTGCTGTTCCAAGTATAGAAATGGTTCGGTTTGTTAACTCTGGTACAGAAGCATGCATGGGTG  
TTCTCCGGCTTGCTCGTGCTTTTACTGGCAAAGAGAACTCATCAAATTTGAGGGGTGTCGTTGCAAGTGCATC  
AGCTTAC

>trans\_c\_6752 XM\_002869519|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cop1-interacting protein 7 (CIP7),  
mRNA

GGCTGCTGATTGGAAGCTCTAAAAGATCTAGCCCCACCGTGAGGGTGAAGAGTGATTCCGATGAACATAATGA  
CGATGCTGCATCAAAGGAGAATCCCAAGATCCGTCTTCAACGTGTTCTAGAGACTCGAAAGGCAGTGCTGCAC  
AAGGAGCAAGCAATGGCTTATGCCCCGTGCTTGTAGTTGCAGGATATGAGCTGGATCATATTGATGATCTTATAT  
CTTTACGAC

>trans\_c\_6753 EU373003|Gossypium hirsutum gland development related protein 10-like mRNA,  
partial sequence

ATGACAGAGATATAGCCCCAGATGCACCTACTTTGGAGGAACTAATGCAAACCTTCGATGAAGTGGTGGCTG  
TTGCTAAAGAGCTTCAGGGAATAAAATTAACCTCTGTGGGTTACGGCACAACCTCTTCATGCACCCTCGATAC  
ATGCATGGTGGTGCTACTAGCTCTGAAGTTGGTGTATATGCATACGCTGCTGCTCAAGTCAAGAAAGCAATGG  
AGGTCGCT

>trans\_c\_6754 DQ923699|Thlaspi caerulescens lipid transfer protein-like protein mRNA, partial cds

GAAAGTAAGCCGAAGTGCTTGTGTTTCTTCATACAACAGACTCATAATGGGAATCAGCAGATCAAGAGCTTAG  
GGATTCAAGAGATTAAGCTTTTACAGCTTCCTTCTGTTTGCACTTGAAGAACTCCAGTGTTAGCTATTGCCCAA  
AGCTTCTGGGGTTACCAGCAAATTCACCGGATGCTGCCATTTTGTGCAATTTGTGGAGTGGCCGCTGTGGCCG  
CAGGC

>trans\_c\_6755 NM\_001051010|Oryza sativa Japonica Group Os01g0786900 (Os01g0786900)  
mRNA, complete cds

GTGTGTGATCTCTTGACGATGGTCTGAGAGTCGGCTCAAGAGCTGTGCTAGATCTCGGCAAACTATGGTCGA  
ATCTAAACCCACTCGCAATGCATACTGTATCATACTGCCAGACGGAGAAAAAACTAATATGTGGTACCTAACCT  
CAGAAGATCCATTGTCCACATGCACAGCATTTCCCTTGCACTCATGGAAAGCTGAAGCAATAGCCCCCGAAAC  
AATACC

>trans\_c\_6756 AJ535063|Oryza sativa (japonica cultivar-group) mdx9 gene for MDR-like ABC  
transporter, exons 1-12

CGATAGAAATTGAAACCTGGCGCAATAGATATAGCACCAGGGAAGATGAAAAATTATAACCAAGCATA  
ATATAGCAAGGACTAACCCTATACCTTCTGCATAATGAATTAAGTAACTAGAAATACTTTGCAAGGAGAGCCAAA  
GCTAAGACCCCCGAAACCAGACGAGCTACCTAAGAACAGCTAAAAGAGCACACCCGCTCTATGTAGCACTATG  
AGTACAGGC

>trans\_c\_6757 NM\_122180|Arabidopsis thaliana ATCSLA02; mannan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATCSLA02) mRNA, complete cds

GTTTTTGGGCTGTTTCTTGTTAAGCTCTTTTGAAGAAACCTGAGAAACGATATAAGTATGAACCTATTCAGGA  
TGATTTGGAATTGGGAAGCTCAAATTTCCCTCATGTTCTCATTCAAATCCCAATGTTTAACGAAAGAGAGGTTT  
ACAAGATCTCCATTGGAGCTGCTTGTTGGACTTTCATGGCCGGCCGATCGCCTTGTTATTCAAGTCTCCACATCG  
TCAA

>trans\_c\_6758 Novel Gene

GCGAAGGGTACTCATCAGGCCCCGATAGACAAAATATTTGTACACACAGTAAGACAGACTTTTGGGGTGCTA  
AGATCCAAAGTCGAGAGGGAAACAGCCCAGATCGTACGCTAAGGTCCCTAAGCAATCACTTAGTGGAAGG  
AAGTTCTCGAAAAGGAAGTTCTCGAGCGATGACAACCAGGAGGTGGGCTTGGAAGCAGCCATCCTTTGAAGA  
AAGCGTAATA

>trans\_c\_6759 AJ132280|Oryza sativa mRNA for ferredoxin dependent-glutamate synthase Fd-  
Gogat, partial

CGGACCTGCTTTATTGTTGTTTCAGCGATGGAAAAACAGTTGGTGCCTGTCTTGACCGCAATGGATTGCGCCCA  
GCTCGGTATTGGCGCACGTGAGATAATTTGTTTATGTTGCTTCTGAGGTTGGCGTCTTACCAATGGATGAGTC  
TAAAGTTACAATGAAAGGCCGTCTTGGTCCAGGAATGATGATTACTGCTGATTGTCAGACCGGACAGGTTTTT  
GTCTTA

>trans\_c\_6760 AC225786|Oryza officinalis, complete sequence

AAAAGAAGATGGAAGTTTCTTCAAGGTGAAATCAAAGTGCTAAAGCACGAACCCCCATTACTGATGGACAATT  
TTGATCTTTAACATTTGAATTTCTCTGACATTCTACGTTCCCGAAATGGATCCTATCAAATATTTACATTTTCTA  
TGATTATCTTTATTTAGGTATTTGGGGAATCCTCCTTAATAGACGAAATATTCTTATTATGGGCCGTGACCCCA  
GG

>trans\_c\_6761 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

ATATCACCTTCAATTCGAATTAGCAAAAGCAATGTCTCCTTGCATAATATGGATTCCAAACATTCATAATCTGT  
ATGTGACTGAGTCGAATTACTTATCCCTTGGTCTATTAGTGAACTATCTCTCCAGGGATTTTGAAAGATGTTCC  
ACTACAAATATTCTTGTTATTGCTTCGACCCATATCCCCAAAAAGTGGATCCCGCAGCGGTAGCTGGCTATAC  
CGA

>trans\_c\_6762 AJ225087|Vigna unguiculata beta amylase

TGCAAATTACCAGCAAAAGCTATGACATCTCTGCTGCGGCCTTGCCCAATTTCCACCATTTTCTTTCCAT  
CTGCTTTCCACAATCCAAACACCAATTAATTACTCCCACTTCTTTCTCTTGTATATATTTTTTTCTTCTTGCAT  
TTGTGTTCTTCTAGTGTTATTTGATTCTTGAACCGACAACACGGAATGGGCGGGAGAGATGATGACTTGGG  
A

>trans\_c\_6763 EU366147|Phyllostachys edulis chloroplast chlorophyll a/b binding protein  
precursor (lhca3) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AAGACCGGAGCTCTACTTCTTGATGGAAACACATTGAATTACTTTGGAAACAACATTCCCATCAACCTCATCGT  
CGCCGTCATTGCCGAGGTTGTTCTTGTTGGTGGCGCTGAATATTACAGAATCATCAACGGCTTGAACCTTGAG

GACAAGCTTCACCCGGGAGGGCCATTCGACCCATTGGGGTTAGCGGACGACCCGGACCAGGCAGCAATCTCG  
CCTTGG

>trans\_c\_6764 GU397114|*Begonia thomeana* voucher Glasgow Botanic Garden 05407997 tRNA-Lys  
(trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GTAACGGGCTTATGTTCTTAATTTGAATGATTCGCCGATCTAATTAGACGTTAAACTATATTAGTGCTTGATG  
CGGGAAGGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATTTTTTTCTAAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAG  
GTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATAAAGAGGGGGGGGAACCCCGACCCCTCTATCGGGG  
GTTTT

>trans\_c\_6765 AY527168|*Citrullus lanatus* var. *lanatus* voucher PI494529\_1 NADH dehydrogenase  
subunit F (ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

AGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTGGAAAGGAAAAACAAAGGGCAGGG  
GAACAGGGCGAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAAACTTCTTACCCTCCGGATGGAAA  
TAAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTCTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGACT  
ATCCTTGG

>trans\_c\_6766 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

TTAATCCGGCATGGGCTACATGAGCCCCAGTAGTTTACCGGCGCCCGGTCGCCTGATTTACGGAAATTAAC  
AACCTATCCCAATTGTTGGGAGTGGTCACGACCAGCTAAAGCTAAAGTTCCATTAAGAGCGTTTCCACGGGG  
TAGAACCTCCTCAGGGAATATAAGGTAAAGTACCCCACTATACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCA  
TCGCTT

>trans\_c\_6767 AC092750|*Oryza sativa* (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare from  
chromosome 10, complete sequence

GTACACGCGGCCGCAAGTGGGCTGATATTATATTGGCACGATTAGAACCATACAGGCACGCGCATGAACGTA  
ATGCTCACAACTTCCCTCTAGACCTAGCTGCTGTTGAAGTTGAATACTAGATATGATCTCAAATAACAGGGGT  
CAAGGTCGGCACGTGAGACAGCCCCTTCGTTGGAAGTAGCAGCTCTCCCTTGTGCGGCCTAGTGGTCGATTC  
CGGGGA

>trans\_c\_6768 AF027686|*Onobrychis viciifolia* glycine-rich protein mRNA, complete cds

ACACAAACACAAGTGTAAGTGCAAGTGTAAGTGTTACACAAAGAGTTAGAATTAAGAAGAAAATGGCAAAAT  
TGTTTCATGGCTTTGCTCTTGGCTCTTGTGGCCACTCATGCCCTAGCTAGACCTACACCAAAGGATGACACGTTT  
AGTGACCAAAGAAGAACTTCTGACCTATGGTGGCGTCGGTGGCTACTCTGGCGCTAATAGTATACATTCTGGCA  
AACCAC

>trans\_c\_6769 D10152|*Arabidopsis thaliana* APK1b gene for protein kinase, partial sequence

TCACGATTTCTTTTATTCTCAGGATTACAATGCCAACTCTCTGATCTTGGGTTTTCCAAAGACACAGGAGCAAC  
AGGCGGTAAAAGTAATGTCTCTACCAGGACTCCGAGTACCTTGTATGCAGCTCCAGAATATCTTGCCGCAGGT  
CAGGCAACCACATCAAGTGATGTTTATAGTTTTGGAGTCATTCTATTGGAAATGTTATCTGGAGAGGAGATTA  
CGAG

>trans\_c\_6770 HM640751|Laxmannia squarrosa voucher Chase 2214(K) 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGCGTGCGCGCTACACTGATGTATTCAACGAGTCTATAGCCTTGCCGACAGGCCCGGGTAATCTTTGAAA  
TTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGAGGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATC  
AGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATCGTGAATGGTCCAACAGG  
ACACCT

>trans\_c\_6771 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

ATATCTAATGACGTAGAAGAGCCCAGATTCCAAATGAATGAAAACGTGACTGAATTGGTCCCGGTCACTCTTC  
GGGACGGAATGGAAGAAGGGAGGAGATTCTCGAACGAGGAAAAGGATCCAATGACTTCGAAAGAATTGAAC  
GAGGAGCCGTATGAGGTGAAAATCTCACGTACGGTTCTGTCGAGTGGCAGTAAGGGTGACTTATGACAGTTG  
AAAAGGTG

>trans\_c\_6772 EF207449|Liquidambar styraciflua inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TCTGAGCGGGTGTGTTGGGGCCAAAAAGGGAAGGACTTTTCCCTCTGGGGGTAGGAAAATCATGATCGGGATA  
GCGGACCCAAAGCTATGGAAC TTGGGTGTGGGTCTTTTGTGCAAATGGAATGGCCTTATCTTTTGATTTTTCT  
TTTTCGTTAATGGGTAAAGGGCGGGGGTCCGTTATAAATTAATATAGTATACCCAACCCGAATCAGCATATT  
TTTTT

>trans\_c\_6773 XM\_002865785|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein 93-V (CLPC), mRNA

AGCAGATACTTTTAGGTCTTATTGGCGAAGGCACTGGTATCGCTGCTAAGGTTCTTAAATCCATGGGAATTAAT  
CTTAAAGATGCGCGCGTGAGGTGGAGAAGATAATTGGTAGGGGCAGTGGCTTCGTTGCTGTAGAAATTCCA  
TTCATCCTCGTGCAAAGCGTGTTTTGGAAC TTTCTCTCGAGGAAGCTCGCCAGTCGAATTGTGCGCGCGCACC  
GTCA

>trans\_c\_6774 Novel Gene

AGCGAGCGAGTTCAGTTGATTTTTACACAGGGTCTTTGTTAGAGTACTTGTGAAATGTGTAGGGTTGAGTGGG  
ATTGAGTTTGGATTTATGTTGCTGTGGTTAGATCCTGATTGTTGACATTCTAATTTGTAGTTTTATGTTCTTTTGT  
TTTCCTATGTTGACCAATGAAACATGAATCCAAGTCTGGCTTTGTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA  
AA

>trans\_c\_6775 FJ390503|Chorispora bungeana protochlorophyllide oxidoreductase B mRNA, complete cds

GAATTCAGTTCATCTACTTTGAGGTGTAAGAGAGAATTGAACCAGCAGATTGGTGCAATAAGGGCTCAGACA  
ACTGCTACCGAAAGTCCAGCAGTTAACAAAGCTGCTCCAGATGGGAAGAAAAC TCTAAGAAAGGGTAGTGTT  
GTGATCACTGGAGCCTCTTCTGGGTTGGGATTAGCCACAGCCAAGGCTTTGGCCGAAACTGGACCCGTTACGT  
GAATTAT

>trans\_c\_6776 FJ647144|Schizophragma integrifolium tRNA-Asp (trnD) gene, partial sequence; tRNA-Tyr (trnY) gene, complete sequence; and tRNA-Glu (trnE) gene, partial sequence; chloroplast

CAAGGAGGCAGCGGGGATTGACTTCCCCTGGGGGTACCACGGGCATTTTCCTTCAACTAGTACCTAATAGTT  
GTTTGAACCTTAACCTAAGAAGGGGGTTCGATGCCCCGAGCGGTATTACCCCTGTTTCAAGTAAATTCGTTGGCAA  
TATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCACGCCTTGGCCGCACACCACCAACAGACACAGAAT  
GTCCT

>trans\_c\_6777 AF487258|Stephanandra tanakae isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE)  
genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

CACTTGAAGTGCTCTCTCCCTCAAGGAGGCAGCGGGGATTGACTTCCCCTGGGGGTACCACGGGCTAAAAG  
GAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGAATTGATTCTAGGGGGTTCGATGCCCCGAGCGGTTCGGCAAAA  
GTAAGTCATAAATTCGTTGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGCGGGTGCAGAACCGGCATGTG  
CAGCAGC

>trans\_c\_6778 AB237193|Juglans mandshurica var. sachalinensis chloroplast rps16 gene, partial  
sequence, isolate: AONIG2698

AGTCCATCTGTTTATTTATCAAGGGCAGAGATCTAGGGTTAGTGTCAATCAATAAGTTAAACTACTTCGTAAG  
TATAGGTTTCGGTATACAAATCGAAAGGATCCAATTCGAACAAGTTTCAAATTCAAACATCAAATTGGATTAAA  
AGTGTATCACACGAGAATCCATTATTTATATGATTCTTTGATAAAAAGGAAATACCCGGTCCGGGAATTTCCGG  
GGG

>trans\_c\_6779 U53856|Arabidopsis thaliana glutathione synthetase (gsh2) gene, complete cds

GTATGCAGCTGAGGCATCTAACAGACCGGTAGACTTGAACCTAAGTTTTCACTTCTCCCTGTCCAGACCATTTG  
ATGGTTGGATGTTTCGTTTTGAGGGCATAGAGTAATACACAGGTCTTTGCGACACAGTTAGCTTATATAAACA  
AGCTTTCTGTTAAAAGAGAGCCCAAGCCACTACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGTCTCGTGAAA  
CAGG

>trans\_c\_6780 Novel Gene

TGGCTCAGGCTCTACCCAAGAAGATAGAGAGTCCCACATACAAAAAAGGTCACAAATAGAGTTAAACCAAG  
TAAGATTGCAAAGGCATAATGATAAACAATCCACTTTGAAGTTGACTTATTTCGCTCGGCCAATCGTCGGAAT  
GTGTACGAGATACCATAGGGGCCCAATATCTCAATAGCACCTTTGTCTAAAGCTGAGAATGAGACTGAATATC  
CAAAAC

>trans\_c\_6781 AY544989|Taxus x media 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TATATAGAGAGAATCCCCCCCCACACACTCGCTCTCCCCCTTCTTCGTCTTCCCTCTAAAAGAAAGAGGAAT  
ATTTTTCTTTTTTGTAAAGGAGATATCGTAGAAGGAAGTGTCTGTCAGGCGAAAATCAATAACAAGAAGGAAA  
TCACCTCAAAGCTTAAAGGAATGAGGATCAGGTCTTCGAGCCCCCACTTTCGTTCTTGATTAATGAAAACAT  
CCT

>trans\_c\_6782 NM\_122400|Arabidopsis thaliana CYP714A1; electron carrier/ heme binding / iron  
ion binding / monooxygenase/ oxygen binding (CYP714A1) mRNA, complete cds

TCTACGGTGCGTGAGGAGGACGGCGGACGTGAGAAGGAAGTTGAGAGCACAAGGCGTGACTGGACCGCC  
ACCGTCCATTTTATATGGTAACTTGCCGGAGATGCAAAAGATCCAGTTGCAACGGGCTGCTATGGCTTCTCCAT  
TGCATTGTGCTTCGGCGATTGTTGCTCATGATTATACATCTACTCTCTTCCCTATTCGCTGAGTGGAGGAAGC  
TCGC

>trans\_c\_6783 AY389632|Hyacinthus orientalis ribosomal protein L18A (RPL18) mRNA, complete cds

CCATAGGGTTAGGCATCCTTGCATCCAAATTATCAAGACAGCAACCGTCCCGGCCAAGCTTTGCAAGAGGGAA  
AGCACCAAGCAATTCCATGACTCCAAGATCAAATCCCCTTGGTTTTCAAGACTGTTAGGCCACCCACCAGAAA  
GCTGAAGACCACTTACAAGGCTTCAAACCCAATTTGGGGCGTGCCGGGTTGGTGGGCCTCCGCTTTTTTG  
TGG

>trans\_c\_6784 FJ456333|Rhododendron simsii microsatellite N24 sequence

TGTAGGTCTCATGGCCAGTCCCAAGTAGTAAAGGCAGCAACGCTGCTCCACAAGGCAATGGAATATGATAAC  
AACAGCCGATGGAGACTCCAAACAGGAGCCATCGACATCGACTAATTTCTTTGTGACGTAACTCCGGCAATA  
TACGAACATAACGCGTTCGCTCCATATCTAGTAAAGGATTGGATCTATAATCCCCGTCACATGGGTGTGGTTA  
ACAC

>trans\_c\_6785 EF152459|Androsace pyrenaica isolate Apyr-A507 tRNA-Gly (trnG) gene, complete sequence; and tRNA-Arg (trnR) gene, partial sequence; chloroplast

TACAACTTGAAGTGCTCTCTCCCTGGAAGAATGATCCCCTCCATAAAGGAGCCGAATGAAACCAAAGTTTCAC  
GTTTCGGTTTTGAATTAGGACACCCACAAACACCCACATGAATCAACGTCGACTATAACCCCTAGCCTTCCAAGC  
TAACGATGCGGGTTCGATTCCCGCTATCCGCTCCATATTAACCGGCATGTCGTCGGAGAATGTGTCTCTGCAG  
AAG

>trans\_c\_6786 GQ903690|Cucumis sativus cultivar EP326 glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase mRNA, complete cds

TCTAACTATTCACTCCTCGCCTTATCTCTTTTACTCCTCTCGTGGATCTCTCTCCAATGGCCAAGATCAAGATTGG  
AATCAATGGATTGGAAGGATTGGGAGATTGGTTGCAAGGGTTGCTCTCCAGAGAAATGATGTTGAATTGTT  
GCTGTTAACGACCCTTTTATCACCCTGATTACATGACCTACATGTTCAAGTATGATAGTGTACACGGTCAGTG

>trans\_c\_6787 X80470|T.durum mitochondria atpA and atp9 mRNA

GAATGCCACTAGAAAGAATTTCTCAATATGAGAGAGTCATTCTAAGTCGTATAAAACCAGAATTACAACAATC  
CCTTTTAGGTGGGTAACTCCAGAAATCAAGATAGAAGTTGATGCATTCTTAAATGAGAGCGCTTTTCCTTTCC  
TTTCATAAAGAAAGAAATCAAACCTCAAATTTCTGACTGTGAAAGCCCCAAAAACCCCAATTTTTCCGGATC  
AC

>trans\_c\_6788 DQ916907|Tacazzea apiculata voucher Renvoize 5760 (MO) tRNA-Glu (trnE) and tRNA-Tyr (trnY) genes, complete sequence; chloroplast

ATGTTGAACTTCACGAGAGAGGGACAAGGAGGCAGCGGGGATTCGACTTCCCCTGGGGGTACCACGTTTCATT  
TTCCTTCAACTAGTACCTAATAGTTGTTGCAACCTTAACTAAGAAGGGGGGTCGATGCCCGAGCGGTATTACC  
CCTGCCTGACATTTAAGCATGGCAATATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCGGAAAATTATACA  
CGT

>trans\_c\_6789 GQ998271|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 RNA polymerase beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

GTGTGGAAACATATAAATTGGTAGAACCATTTGATAAAAGAAAGAGATGCTGTATATGAATCACTCACATATTC  
TTCTGAATTATACGTATCCGCAGGATTAATTTGGAAAACCCGTAGGGATATGCAAGAACAACAATTTTGATT  
GGAAACATTCCTCTAATGAATTCCTGGGAACTTTTATAGTAAATGGACTATACAGAATTGTCATCAGTCACCG  
CG

>trans\_c\_6790 AJ491856|Pisum sativum mRNA for GDA2 protein (gda2 gene)

GTTTTTCGGGGGTGGCCCAATACTTCGTAGCCTAATGATCGGGCTGCCCCGCGCGGTTCTTCATCGATGCGA  
GAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTAATCCCCTTTCTCTTTTCGTCCGTTTGACCGTCGTAG  
TGGTGCAAGACTGGCCGGAAGGAATCTTCTTCTAGTGCCCTGCAGAGTTTCTGATGCGGATCCTTACCTGAG  
CC

>trans\_c\_6791 AY527169|Citrullus lanatus var. lanatus NADH dehydrogenase subunit F (ndhF)  
gene, 3' UTR; chloroplast

TCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTACCCAAGGGAAGGGGGGTGGGAAGCAG  
GGGAACAGGGCGAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAGACCTGTTTATGAAACTTCTTACCCTCCGGATGG  
AAATAAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTTCTGGTTTGAAAAACCTCTTGTG  
ACTATC

>trans\_c\_6792 Novel Gene

TATGGGAATTTTGATTTCTTCAACGAGTACTAATTGATGGGAGAAAGACATATGTGCCATATGTGAATTACCAC  
AATTATTGGTAGCATCATATTCAGGATTCGAAGGCGTACTGGGTCTAGTTGATTACGCCCATTCTTCTAATGA  
AATAGAGTACTATACGTTTCCGGAAAGCACATACATAAAGGGAATTTGGACGATACAGCACGAACCCTTCATC  
C

>trans\_c\_6793 AF043539|Spinacia oleracea ClpC protease (clpC) mRNA, chloroplast gene encoding  
chloroplast protein, complete cds

GGGACTACTTCGTGAAGGTGAGGGTGTTCAGCTCGTGTTCTGGAGAACCTAGGTGCTGATCCTAGTAACATT  
CGCACTCAGGTTATTTCGAAATGGTGGGCGAGAGCACTGAGGCTGTTGGTGCTGGTGTGGAGGAGGAAGCA  
GTGGGAACAAGATGCCGACCCTGGAAGAGTATGGGACAACTTAACTAAGCTGGCAGAAGAGGGTAACTA  
GATCCCCG

>trans\_c\_6794 AY233205|Vitis vinifera chlorophyll a/b-binding protein (Lhca1) mRNA, partial cds;  
nuclear gene for chloroplast product

ACCAAATGAATGTGGTTACCCTGGTGGGATTTTCAATCCCCTGAATTTGCTCCAACCTCTCGAAGCTAAAGAGA  
AGGAACTAGCCAATGGGAGACTTGCGATGTTGGCGTTTTTGGGGTTCATAGTGCAACACAATGTGACAGTAC  
CCAAATTGCCACACCGTCTTTGCAACACATCTCAGACCCATGGCACAACACCATTGTCCAGTGTAACCACCG  
GG

>trans\_c\_6795 NM\_101442|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT1G15740)  
mRNA, complete cds

CACTCCTGGAAAATTTAAGGATTGGAGATTTGCGCAATTCCTGAGGTTTCATCAATCCACCATCAGTTACTTCCG  
AGCCAGAAAGATCCACAGAAAGTACAGAGGATCCTTGCGAGGAGATGACATCTATCCAAGCATCGTTACCC

CTGGACATTCTCCAAAGTGAAGATCCTGGAGAGCACAATCTCGAAAAGCTTGTATTGAAATATTATTTAGAAG  
CTG

>trans\_c\_6796 EU161362|*Illicium verum* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAATTTGTAAATGAATTATATATTTAGATACCAGATGAGTCAATAATTTATCAGAATTTTGATAATCAATCTACT  
TTCAGATTAACATCATGCGATAGGGCCAAGATACTTTGATTTTTTACGTTTTTCGCAAACATTATCATGGATTACGT  
AGTACGTGGGCAGAAATACACGAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTAAACAG

>trans\_c\_6797 L20487|*Zea mays* NADH dehydrogenase subunit 4 (complex I) (nad4) gene, exons 1  
and 2

GCGTTTTTGTACACAGTGACGACGGACGACCGCCCGTAGGGGGTTTACTGCACAAGGCCCTGCAGAGGAAA  
AGCTTGATCCCAGCGAATAGAAGATGCTCAGCTCCGCACAACATAGGGATTAGCACGCTTTTGAAAAAAACAT  
AGAATAGTAGAAGATCCAGCATGCAGAACACGGCGATCATTA AAAATGAACAAATTAGAAATGCTATAATAT  
ACTCT

>trans\_c\_6798 AB080190|*Pisum sativum* cul1 mRNA for cullin-like protein1, complete cds

GCATCACTTCTATGGTCTTACCATCCTTGAGGGAGAAGCATGACGAGTTCATGTTGAGAGAACTAGTCAAAAG  
GTGGACAAACCATAAAGTCATGGTGAGGTGGCTTTCTCGCTTCTTCCACTATCTTGATCGGTACTTCATCGCTC  
GAAGGTCACTTCCACCTCTAAATGAAGTTGGCCTCACATGCTTCCGCGAATTGGTGTACAAAGAGCTAAACAG  
AT

>trans\_c\_6799 AY527171|*Citrullus rehmii* voucher NAM1887\_1 NADH dehydrogenase subunit F  
(ndhF) gene, 3' UTR; chloroplast

GCAGACGTTTCCTAAGAGCAGGGTAAGGAGAGCTTAGACAGGCAAGGGAAGGGGGGTGGGAAGCAGGGG  
AACAGGGCGAAGGACACGCTATCAAAATATAAAAAGACCTGTTTATGAAACTTCTTACCCTCCGGATGGAAAT  
AAAGAAAATTCGAAGTTAGAAATAGATAAAAAAGAAAAATCTCTCTTCTGTTTGAAAAACCTCTTGTGACTA  
TCCTTGG

>trans\_c\_6800 EF590391|*Corylus avellana* cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)  
gene, partial sequence; chloroplast

GGGCTTGAGAGGAGCACTACCAAAGTTTTTCAAAGAAGGGGTATCCTGACGTAGGTATGCTTCTGACCTAGA  
TCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAAACTTCATACACCTTT  
TTGACCAATTGGGTAGATCAAGAAAACAGCAGTAGCAGCTGCAACAGGAGCTGAATATGCAACAGCAATCCA  
AG

>trans\_c\_6801 HM768296|*Ananas comosus* glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase mRNA,  
complete cds

CATGTTTGTGTGGGAGTCAATGAGAAGGAATACAAACCAGATCTTGATGTTATATCTAATGCTAGCTGCACT  
ACCAACTGTCTTGCTCCACTTGCAAAGGTCATTACGATAGATTTGGCATTGTTGAGGGCCTGATGACCACTGT  
TCACTCAATGACCGCCACCCAAAAGACTGTTGATGGACCATCCAGCAAAGACTGGAGAGGACCTCTCTACACT  
TG



>trans\_c\_6802 EU594575|*Spinacia oleracea* 17S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGGGCTGGGACTCCCAAACCTTAAAAAAGATACCACGCAAGAATCAGAACTGGAATCGGTTCTCGATCC  
AGCCAAAATTTTACTCAAAACCTTGCGATATCGAATTCTCCAGCATCACTCGTCTGAGATTCTGCTTTTGGATT  
CTCAGGCCCTTCTTATTGCTGGAACAAAACGTTGCTGAGAGCCGTTGCCTATAGAGCCGAGAGCGTAGCTACT

>trans\_c\_6803 GQ997861|*Ximenia americana* voucher FLAS:W.S. Judd 8070 ATP synthase CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

CGTGTGGTGGGTTTTAGTGAAGGAAGTATGACTGCTTTACCAATAGTTGAGACCCAATCGGGAGATGTTTCAG  
CTTATATTCTACTAATGTAATTTCCATTACCGATGGACAAATATTCTTATCTGCCGATCTATTCAATGCTGGAA  
TCAGACCTGCTATTAATGTGGGTATTTCCGTCTCCAGAGTAGGATCTGCAGCTCAGATTAAAGCCATGAAACA

>trans\_c\_6804 AJ582932|*Phyllobolus deciduus* internal transcribed spacer 1 (ITS1), 5.8S rRNA gene, internal transcribed spacer 2 (ITS2)

CACCCCCGGGGGTACCCTAAAAAAGGTTCCCTCTCTCCCCAGCCATTTGCCATTTGGGGTTAAGAAGATGT  
GAAAGCGCCTCTCTCTATAAGAACGGTGCGTTCCAAGGTGTGAAGTGAGAAAGAGGGTGTGCGGCCCCCG  
CCGCGTGACGCCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGGCGCAACTTGC GTTCAAAGACTCGGTG  
GTT

>trans\_c\_6805 BT015042|*Arabidopsis thaliana* At5g43450 gene, complete cds

CCGGCGTGTCCGCAACCGGAGCTGACATGGGGAACACAGATCATACGGATAGTAGTTTTTTGACGGTGCTTT  
TGCAGGATGAGTTGGGTGGACTTCAAGTCCGCCATGGGGATCGTTGGGTTGATGTTTCATCCCATCGAAGGAG  
CTTTTGTGTTAACATTGGCGATTTTCATGCAGATGGTGTCAAATGATAGGTTTCATAAGTGTGAACACGCAAACC  
TC

>trans\_c\_6806 NM\_179487|*Arabidopsis thaliana* LOS1; copper ion binding / translation elongation factor/ translation factor, nucleic acid binding (LOS1) mRNA, complete cds

ACTTCTCACCACTCTCATTCCCTCTTCCGCACGTTGTTTCGCTCCTCAACGGGAGTGCCTTCCCTTTGCTCTC  
CCTCCAGTTTATAGTCCTCGGTCTTTTGAAGACTTGTCAAGATGGTGAAGTTTACAGCAGAAGAGCTCCGTCG  
GATTATGGACTATAAGCATAACATTTCGTAATATGTCTGTTATTGCTCACGTCGATCATGGGAAGTCCACTC

>trans\_c\_6807 XM\_002316814|*Populus trichocarpa* Sec61 transport protein, mRNA

ACTTTGAGACCTTCGAGAAGGAGAAAGTCAGCGAACTGGGTCTGTTTGGTTTCTAACTTTTTCGTTCAGTTTA  
ATTTACACTTTGGTGGTGCCAAAGAGCTCCCTGTCAATTTTGGTGCCTAGGGATTTTACAAGCCTCTAATTGT  
ATGAATATTTTAGATTAGAAACGTTACAAGTTTTGAAGTAAAGTATAAAATTGATATATTTAGCGGAAAAA

>trans\_c\_6808 X57164|*T.aestivum* nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

CTTCCCATCTAATCTGTAGTGGCTACTAAGCTATTTCTTTGGAAAGCTCCTACTAAGATGAGAAATTCCTCGAT  
AAAGCTGCTAGTACCAGGTAACTCATATTGGCCAAAGTGAAAAAGAAGAAAATGGTAGAGAAATTCGGCAT  
GGTGCTCACTAAACCTCCATAATATCTAACAAGTCGAGTCTGATGTGCGTCATATAGAACACTAACACATAGA

>trans\_c\_6809 AJ316582|*Atropa belladonna* complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

CTAGAGCTAATACGTGCAACAAACCCCGAAAATGATTTTTATATTCGAAACCCATTAGAAAAGAAGGGACAGTA  
GAAATCATACAGAAATGCTAGACTCGAAGGCCCTGAAAATGCAATGAGGTGTTGAAAATGGTTGAAGTTAG  
TTGAATAGGAGGATCACTATGACTATAGCCGGATTGCTATGGATTGGATTGAGTACCTATCCCGTATCGCGAC  
AT

>trans\_c\_6810 AM981158|Coccinia sp. 07nia917 ITS1, 5.8S rRNA gene and ITS2, specimen voucher  
personal collection:07nia917

AAGAAGGCTCCGGGCGCAACTTGC GTTCAAAGACTCGGTGGTTCGCGGGATCCTGCAATTCACACCAAGTATC  
GGGCAGACGGCGGTTTTTGACAAAGACTGGTACGATTCAATTCAACATTTTGTTCGTTCGGATTTGATTGTGTC  
ATAGCTCTATAATTCGGATTAGGTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATC

>trans\_c\_6811 EF584901|Glycine max OAS-TL4 cysteine synthase (OAS-TL4) gene, complete cds

CCTTGCTATGGATAGGAGGCAGGATTTCCATTCAATCCGAGAAGAATGTGAAAACATGCAACATGAGCCATG  
AAGTACCATTTTATAATCACCTTCACAATTCATCACACCAATGCAGGAAGGAATATAAGTGGAATGGGAGACC  
ACCGAAGCTGGGCTGGGCCAAGTGATAGGTTATTGTTGGTTGGCTTTGGGGCGGGTTTTGGCCTGTTGCGA  
CC

>trans\_c\_6812 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

AGTCGTCAGCTCGTGCCGTAGACACAACCCAAAAGTCCCGCACATAGCGAAACCCTCGTTTTGTGTTGCTGAG  
ACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTTTGCAACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCGACTAA  
GGAGACATCACGTCGTAGCAGTGCTGTCAAGTCAAGGGAGCCTTATCCTTTCAAGGAAGCACTTTCGAGT  
GT

>trans\_c\_6813 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

CAGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGGGTTGTCTCGCGATCCCTTCTAC  
AGCTTGGCCCGCAGCAGTACCTTGACCAATCCCAGGTCCAATAGAAGCAAGCCCGACGGCCAACCCAGCAGC  
AATAACGGAAGCGGCAGAAATCAGTGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTG  
C

>trans\_c\_6814 AB517651|Dianthus caryophyllus DcPEL1 gene for pectate lyase, complete cds

GAACAGATTTGTTGCTCCAAATGACAGATTGAGCAAGAGGTGACAAAATACGAGGATGCACCAGAGAGTGTA  
GTGGAAGAATTGGCATTGGAGGTCTGAAGGAGATCTGATGTTAAACGGGGCGTTTTTACGTCCTCAGGAGC  
CGGAGCATCATCCAGTTATGCAAGAGCGTCGAGAGGCTCTCGCGAGTTGCCGTCGCTCGTCGGCGTGGTATG  
CAC

>trans\_c\_6815 NM\_001187443|Oryza sativa Japonica Group Os05g0345500 (Os05g0345500)  
mRNA, complete cds

TGGAATTATCATATCCAAGGACTCAACCCCATTTGTA CTACAGTATTCCTCCGGGCTTCCACTAAACGTACAG  
AGGCTCAAACAATTACAATGTACTGGCGAGTTCAGTGATGTGTCCATCTATATACAAGGTCATGGGTTTGTTG  
CCCACGTGCACAAAATCATTCTTAGCTTATGGAGCATGCCATTTGAAAGGCGTGCGGTTGGCAAGGCAGACA

>trans\_c\_6816 AF487252|Neillia uekii isolate 168 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE) genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

CAGCGGGGATTCTGACTTCCCCTCAAAAATAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTT  
GGAATTGATTCTTCCCGGTTCGATGCCCCGAGCGGTTAATGGGGACGGACTGTAAATTCGTTGGCAATATGTCT  
ACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTCAC

>trans\_c\_6817 NM\_001112169|Zea mays plasma membrane intrinsic protein2 (pip2g), mRNA gb|AF326496.1|AF326496 Zea mays plasma membrane integral protein ZmPIP2-7 mRNA, complete cds

AGCAAGGTGAATTCCAAAGCAAAGACTACCAAGACCCACCTCCCGCCCCTCTCATCGATCCCGAAGAGCTCAC  
TAAATGGTCTCTTTACAGAGCCGCCATCGCCGAGTTCATCGCCACTCTCCTCTTTCTCTACGTCACAATCGCCAC  
CGTCATCGGCAACAACAAACAGACCAAACGTGTGTCGTGCGTTGGAATGGAGCAGGCTTAAGTGGCCTTC

>trans\_c\_6818 Novel Gene

AGAGATGATAAAAGAAGCTGAAGGGGAGGGGGGCGGGTGCCTCAAAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAA  
CAAGCTTGGAATTGATTCTTCCGGGGTCGATGCCCCGAGCGTCGGCAAAAAGTAAGTCATAAATTCGTTGGCAA  
TATGTCTACGCTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACCACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACCA

>trans\_c\_6819 S46795|atp6=ATPase subunit 6 [Brassica napus, Regent, pol, male sterile, Mitochondrial, 2498 nt]

CCCGGGTTAAAAATGAAATCCCACTATAGTAATACCAATAAAAAGAGAAAATGAGAGACCCAAAGTAATGAG  
AAAATGACTTGCTACTGTGAAGCTATAAGGTATCATACCCTGAAGATTACAAAATAACAAAAAAGTCAAAGTG  
ACCAAGATGCAAGGGAAAACTTTTGTTTCACATTTCCGGAAAGACCACCTATTTGTTGTTTTACCAGGTTCA

>trans\_c\_6820 XM\_002334740|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS57), mRNA

GAAACGAAGACCGCATCCACATCATAGACTTCCAGATTACTCAGGGGACGCAGTGGTTAACTCTTCTTCAGGC  
ACTTGACAGCAAGGCCTAGTGGGGCTCCCCATGTGAGAATAACTGGTATTGATGACCCTGTGTCTAAATATGCC  
CGTGGCGATGGGTTGGAGGTCGTGGATGGGCGGTTGGCCGAAATCTCTATGAAGTATGGAATACCAGTGAG  
A

>trans\_c\_6821 Novel Gene

TATCACCCCCGTACATCGAGTAGGAGAGAATCAAAGCCCTCTCCTTTCAGTCGAGCCCTTGTTTCATCGATCAT  
TCTTGAATCTTGGACTCTTTCAGTCGAGCGTCCTCTTTAGTTTCATTCTAGTGACTTTCTTTTCTCAAATCTTT  
GAGCCTTCGACCGCGTAGAAGGAGTCTGAAATCCATATTACCTGTGGTCTCATTGATAAGGACAT

>trans\_c\_6822 U81312|Nicotiana tabacum S-adenosyl-methionine-sterol-C-methyltransferase mRNA, complete cds

AGCTTTTACGAGTTCGGTTGGGGCGAGTCGTTCCATTTTGCACCTAGATGGAAAGGCGAATCTCTGCGGGAG  
AGCATTAAGAGGCACGAGCACTTCCTTGCTTTAGAGTTGGGTTTGAAGCCTGGACAGAAGGTTTTGGATGTTG  
GATGTGGTATAGGCGGACCACTGAGAGAGATTGCAAAATTCAGCTATACTTCAATTACTGGGTTGAACAACAA

>trans\_c\_6823 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GCGAAGGGTACTCATCAGGCCCGCATAGACAAAATATTTGTACACACAGTAAGACAGACTTTTGGGGTGCTA  
AGATCCAAAGTCGAGAGGGAAACAGCCCAGATCGTACGCTAAGGTCCCTAAGCAATCACTTAGTGAAAAAGG  
AAGTTCTCGAGCGATGACAACCAGGAGGTGGGCTTGGAAGCAGCCATCCTTTGAAGAAAGCGTAATAGCTCA  
CT

>trans\_c\_6824 Novel Gene

TGAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGTGGTTCCTCTCAGCGGTGTCCGCAGGACCTCCCCTACAGT  
ATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTAGTTTGAATGTACATCTT  
CTCACCTTCTCGTTGCTTGTCTCTACTAACCGCAAATCCAACCTAAAGTTTTCCGGATACTTCTCT

>trans\_c\_6825 L76556|*Spinacia oleracea* chloroplast sedoheptulose-1,7-bisphosphatase mRNA,  
complete cds

CCCCCTCCATGTCCAATCAACACTAGCAGCAGCAGGTTGAGAGAATCAGCGTCCTCTTCATACTTGGGTGGCT  
ATGGAGACTGGAATTGCTTGCTGTGCTCGCGGGGCTTTTCTCCCAATCTTTCTTCTCAGCATTCAACTGCTCTT  
ATGTCTCCTTCTTTCGCCACCAGGAGTCTAAAAGCGAGTTCGCTGAAACAAAGACTGCCCAATGGCC

>trans\_c\_6826 GQ998808|*Trochodendron aralioides* voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete  
cds; chloroplast

CAATTTTTTTTCGTAATTGAAAACAATGGGTTATTGATATTTATAATAAATAGTATTTTAGTAAAGAATTAAGTT  
ATTACTCAACAAAGAATTTTTTTTAAAGGATGAGATCAATTCAGAAGTAACCTTTTTCTTTATTATTATAACAGA  
CAGAATTCTATTGGGTAAATTTGGGGACACACGATAGATTTTATCTTATAGTATATTTTTATCTTA

>trans\_c\_6827 M82923|*Spinacia oleracea* chloroplast ribosomal protein S1 (rpS1) mRNA, complete  
cds

AGTCGAAATCCGCTAAGGAGTATTCAATATGACCTGGCTTGGGAGAGGTGCAGACAGCTTCAAGCAGAGGAC  
GTTGTTGTCAAGGGTAAGGTGGTTGATGCTAACAAAGGTGGAGTAGTGGCAGTTGTTGAAGGCCTAAGAGG  
ATTTGTCCCTTCTCACAGATATCAACGAAATCAACTGCTGAAGAGCTTCTCAACAAGGAGCTTCCTCTAAAGT

>trans\_c\_6828 AP009375|*Lobularia maritima* chloroplast DNA, complete sequence

CCGAGACCGCCGTATAAGAAGTGCTAGTGTGGGACAATCTACCTTGACTCGTTTTTATAGTTTACACACTTTTG  
TATTACCTCTTCTTACTGCCGTATTTATGTTAATGCACTTCCTAATGATACGTAAGCAAGGCATTTCTGGTCCAT  
AGGATTTTCGATCCTATTCTGTTGGCCTTCGGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCCG

>trans\_c\_6829 AB189069|*Silene latifolia* chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,  
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

TATCTAATCCCATTCGCTCCCCTAGCTTTCGTCTCTCAGTGTCAAGTGTGCGCCCAGCAGAGTGCTTTCGCGTTCT  
TCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTAAAGGACTTTCCTTGAACCCGCGCA  
TGGTGGATTCACAATCCACTGCCTTGATCCACTTGGCTACATCCGCCCCCTACCCTACGCGCGCGCGCG

>trans\_c\_6830 AF515796|*Pisum sativum* Drm4 mRNA, complete cds

>trans\_c\_6831 NM\_001056658|Oryza sativa Japonica Group Os03g0352400 (Os03g0352400)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_6832 FN599860|Camelina sativa 18S rRNA gene, ITS1, 5.8S rRNA gene, ITS2 and partial 25S rRNA gene, cultivar Calena

>trans\_c\_6833 GQ998743|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit K protein (ndhK) gene, complete cds; chloroplast

>trans\_c\_6834 EU016365|Vitis vinifera neutral invertase (NIN1) mRNA, complete cds

>trans\_c\_6835 FJ425750|*Erythrorchis altissima* voucher Cameron 1029 (WIS) 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

>trans\_c\_6836 EF595935| Cucumis melo isolate 2007-B28 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence; chloroplast

>trans c 6837 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GATTGACGTGAGGGGGTGGGGATGGCTATATTTCTGGGAGCGAACTCCAGGCGAATATGAAGCGCATGGAT  
ACAAGTTATGCCTTGAATGAAAGACAATTCGAATTAGCTTTGTCTACGAACAAGGAAGCTATAAGTAATGC  
AACTATGAATCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGCTTAACACATGCAAGT

>trans\_c\_6838 EF197846|Arabidopsis halleri miR319a microRNA locus, genomic sequence

CTCACTTTTCTCTTTTGGAGGTTGGAATTTTGTATTCATGTGAAAATATTGTCATTCAATGTAAAAAAGCAC  
ACCATAATTCTACATACAATCAATACATTAGGAATTTTGTTCGTTCTTCCCAACACAACCAGACCCCTTCTTCTTAT  
AAACAGATGCGTATAGTGATTTTTGAAAAAGTACTTCTTCAGTTCAACATTTCAATTATGTGCCC

>trans\_c\_6839 NM\_113567|Arabidopsis thaliana MATE efflux family protein (AT3G26590) mRNA,  
complete cds

AGGTAGACAGTCCATCCCAAGATGTTTCGTGCATATGGACAGCGCATCAATGGAACTTCTGCGTTCTTCAAGT  
ATCCAGCAAACAGTATCAGAGCCATAAAATACCATATCTCCAAACAGAGCATGACCGCAGATGCAAGAGAGA  
GTCTAACGAAACCCCAAAGATTGTGAAACGCTTGCCATGAGAAACCAGACCAGGCTCGACCACAGCTCCCCG

>trans\_c\_6840 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

GTCCTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTCGGGTAAGTTCCGACCTGCACGAATGGCGTAATGATGGCCAGGCTGTC  
TCCACCCGAGACTCAGTGAAATTGAACTCGCTGTGAAGATGCAGTGTACCCGCGGCAAGACGGAAAGACCCC  
GTGAACCTTTACTGCAGCTTGACATTGAACTTTGACCTTACTTGTGTAGGATAGTGTTTCTTAGGGTCCAC

>trans\_c\_6841 AB181026|Hibiscus tiliaceus chloroplast accD, psal genes for acetyl CoA carboxylase,  
photosystem I subunit, partial cds, haplotype:B

GAATACTTTAAACGCACGGGGAAGAAAATGAATTTTCATGCTCCCTTCTTAACATTACATGTGTATATATACTTC  
AACTATAGCAAATAGCGGCATAGAGTCTTGATCTTTCTACATCTCTAGCGGATCTCTAGTTTTACTAAGAATC  
CCTGTTGTTGGATCGGATTATAACTACCTTTTTGGGAATTTGTACGAAAATCTTTATGAAATTTTATT

>trans\_c\_6842 Novel Gene

CACTCCGATTCAACCAAATGATGAGTGTTTTCCAAAGAAGACGCAACCATGATGTGAACCGAACAGCTTTTAG  
CTATTGGGGATTAATTTTGGTCGAGGATGGTTCTTTCTTTCTTTTATTATTATTATTATTTTGTGGGT  
TTTGAATCTCGTCCTTCTCAATAGATACACCTACTTGACTTGGCCAACCGGTCCGGCTCTAACAAA

>trans\_c\_6843 EU090942|Capparis spinosa 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGCCCATAGAAAAGAAATTTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGAGGAATT  
CCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTGTACACACCGCCCGTCGTCCTACC  
GATGTCCGTTGAATCATAGGCAGTGGCTTGGTTAAGGGAACCCACCGGAGCCGTAGCGAAATATCTGAG

>trans\_c\_6844 Novel Gene

AGTGGAACAGAGGCTGGGGCGAGGATGGCTACTTCAAGATAAGAAGAGGAACGAATGAGTGTGGGATTGA  
GGAAGATGTTGTTGCTGGTTTGCCCTCAACAAGAAATATTGCCAGGGAGGCTGCCATATGATCCAGATGCTGC  
TGTTTCACAATCAAGCTTTGCTCAACCGAGAGCGCACCCCGCACACTTCATGCCCACGCCGAGGTCGCCCGCA

>trans\_c\_6845 FM992574|Mesotaenium kramstae chloroplast partial 23S rRNA gene, strain UTEX  
1025

AAGGCTCCACCTATCCTGTACAAGCTGCACAAACATTCAATATCAGGCTACAGTAAAGCTCCACGGGGTCTTT  
CCGTCTGTGCGGGTAATGCGCATCTTCACACATAGTATAATTTACCGGGTCTCTCGTTGAGACAGTGCCCA  
GATCGTTACGCCTTTCGTGCGGGTCGGAACCTTACCCGACAAGGAATTCGCTACCTTAGGACCGTACT

>trans\_c\_6846 GQ997249|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 photosystem II protein D1 (psbA) gene, complete cds; chloroplast

AGCGAAAGCCTATGGGGTCAAAGACATTGACCTATAACCAGCACTGAAAACCGTCTTTACATTGGATGGTTTG  
GTGTTTTGATGATCCCTACCTTATTGACCGCAACTTCTGTATTTATTATTGCCTTCATTGCTGCTCCTCCAGTAGA  
TATTGATGGTATTCGTGAACCTGTTTCTGGATCTCTACTTTACGGAACCCGCGGCGGGAGTTGTA

>trans\_c\_6847 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

AGATAATATATAAATAGGATTATAGTGGATGAATCTTCAAACGAGACATGTACCGATCGACTAATCCGGTATA  
TTTTCCACATTGATAGGAGTACGTTTATGTTTCTGCTTTACGAATATGATATTTTCTGGGTATTTCTAATAATATC  
AAGTCTTATTCCTATTTTGGCATTCTAATTTCTGGAGTTTATAGGGGAGAATCGTTTCTCGGTCT

>trans\_c\_6848 DQ338538|Saussurea involucrata ribose 5-phosphate isomerase-like (RpiA) mRNA, complete cds

AGTTCAACGATAGTTCTCAAATTGATTTTTCATTTGATGATGCTGATATCATAGAAGAAGGAACACTTATTGCA  
GTCATTGGGCATCGGAAACCGCAAGTGGAAGATTCAATAATTCAGGAGAAAGTCTATATTAATGCCTCCAACC  
AGCTTGCATTCATGATAAAGGAAAGCCAATATATGGGTGGCCCTGAGGGATCGAGCTTGAAAAAGAAC

>trans\_c\_6849 FM992541|Closterium lunula chloroplast partial 23S rRNA gene, strain M 2156

AACAACCCAGAAAGCGGTACCATAAAATGTAGCCGTTATTTTGACACAGATCAGCCGTGGAAAAAAGGAAAA  
GGCTAATCTGCAACACTAAACGACGACAATCTAGCACGAGCAATGGGGCTATCACCGTCATGGAGATAATAA  
GAGTAGCCCGGGGTGCATCGTGCATAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCT

>trans\_c\_6850 FJ861085|Citrus maxima CRT/DRE binding factor (cbf) gene, promoter region and complete cds

CGGAGACGACGACGCCGAAAAACGTGTTTTACATGGATGAGGAGGCAGTTTTCGGAATGCCTGGATTGTTGG  
AGGATATGGCTGCGGGAATGATGTTGCCTCCACCTCAGCATTTTCGTGATGACATGGATTTTTACTCTGACGTG  
TCATTATGGAGCTATTAAATAATCTTTCTTAAATATTACATTATACATTCAATTCGCTTCGGGGCGGAG

>trans\_c\_6851 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GCCCCGTGAAATTGAATTCTCCAGAAGATGCGGAGTACCACACCGCTAGACGGTAAGACCCCGTGACCTTC  
ACTATAGCTTCGCAGTGACAACCTTGATCGAATGTGTAGGATAGGTGGGAGTGTTGTACACACCATCAACCG  
AAGTCCCTCAACAGAGGGATGAGCCTTCGTAAGCCAATAATACAATCTCCCTAAAAAAAAGGGGGTA

>trans\_c\_6852 DQ887080|Arachis hypogaea photosystem I psaH protein mRNA, complete cds

AAGCTCGAACGACCTTCAACAGGGAAACGTTACGTTTAGGGTTAGACACCTTTGCTGCTCCATTACCAAGA  
GAGGATTGTTGCTCAAGTTCTTGCTACTAGGTGGTGGTGCTACTTTAGCTTATTACAGTGCTACTGCCCCAGAT  
GATGTTCTTCCATTAAGAAAGGACCTCAACTCCACCGAACAGGTCCTGAACAAGGAGAGAGCCTC

>trans\_c\_6853 X04401|Potato mRNA for light inducible tissue-specific ST-LS1 gene

GGTCAACAGATGTCTATGTTGGTGGTACTACTGGGTTAGCCATTTGGGCAGTGACTTTGGCTGGTCTTCTTGCT  
GGAGGTGCTCTTCTTGTGTACAACACCAGTGTCCCACACGTGTAAGGTGGAGGGAAAAGTTAAAAGTCTTGTTT  
TTTCTTCACATTAGTTTTTGTAGCATGTTATTATTATGAACATACATTATTATATTCTTTAAGACACA

>trans\_c\_6854 Novel Gene

GGACGGGTCCAGGTGACTGGTCTGATACGGCTTAGTAAAGCAATACGAGACGATGGAATGCAATGGGATGG  
ATGGTAGAGGGCTGCCTGCGCCCAAAAGCGATGATTCACCTGTCCCCTTGTCTATAGGGACCTCGTGGCATA  
AACCGAAACGACTCCCACTAGATAGCCGCCCTTTCTCTCTTTTACAGCCTCGTTTCATTCATCCCTCCC

>trans\_c\_6855 EU726485|Spinacia oleracea APETALA1-2 (AP1-2) mRNA, complete cds

GGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCAGACTCAGCATCTGAGCAGTGGGTACATACCATCAGAGGATGATCTA  
TGATGTTAATTAACGCAAACGGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCAGTCTGATGCTCAGATGACAAACGTGC  
GTTGCTGAGATCTGATCTATGATGTTAATTAACGCAAACGGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCAGTCTGA

>trans\_c\_6856 FJ807473|Populus trichocarpa peroxidase (PO1) mRNA, complete cds

TACGGCTCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTCATTCTTCTGGAAGATAGTTTT  
CCAAAATATCAGCTCTGCTTTTTCTTCCATCTCTTCTGCCTGTTCTAAGTGGGATGTAAGGCCCCCAAGAGAAA  
CAATGCCATCTCTGGCTGACAGAACAAGGATATCTGCACAGGAGACAACCTCCAGGGCTAAAGTAAA

>trans\_c\_6857 Novel Gene

AGACCTAGCTGCTGTTGAAGTTCCATCTATCAATGGATAAGACTTCTGTCTTAGTGTATACGAGTTCTTGAAAG  
TAAAGGAGCAATAACCAATTTCTGTTTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTTAAAAATTTTTTAAATGTA  
TTTTTGCATATATATTATATTATATATATATATAGGGTAGGGGGCGGATGTAGCCAAGTGTTCTG

>trans\_c\_6858 DQ629314|Dryopteris wallichiana large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

GAGAAACTTTGTCTGAACATGGGGGGACCATCCTCCAAGGCTAAATACTCTCAATGACCGATAGCGTACAAGT  
ACCGTGAGGGAAAGGTGAAAAGAACCTATTTAGGGAGTGCAATAGAGAACCTGAGATCCGATGCTTTCAAT  
CAGTGGGGCAATTGTCACTGCTTATGGACCCGAACCTGGGTGATCTATCCATGACCAGGATGAAGCTTGG

>trans\_c\_6859 AJ429702|Ipomoea batatas chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene (partial)  
and tRNA-Met gene

TTGCTTACCGGCACTGAATCGTCACCTCTCCACCCACCTTTGCGGGACGGCGAGACGGAGTGCTAGCCCTCT  
GGCGGAGCTGGTAAAAATGATTACATGATGTACTTCTCTGAAAAACATTGGCGCGCGTGTAACGAGGTGCT  
CTACCAACTGAGCTATAGCCCTGGACCTGAGCAATTGAGTGGCTTCGTAAGACTCTGCATACACGACAGC

>trans\_c\_6860 NM\_001057432|Oryza sativa Japonica Group Os03g0679700 (Os03g0679700)  
mRNA, complete cds

GTCCTCAAAACATCAACCCCGTATTGGATTGCCAAACTTAGGAAGGACTGGGTTGATAGGAGGGACAAAT  
TAGGTGCTCCAAGATGCACACAGATGTATTATGCCAAGCAAGGAATCATTACTGAGGAAATGTTGTTTTGTGC  
CACTCGTGAGAAGCTTGACCCAGAGTTTGTGAGTGACTCTTGGTAGATCTTTATTTACGCCGCCCCAGAA



>trans\_c\_6861 NM\_001071629|Oryza sativa Japonica Group Os10g0521900 (Os10g0521900)  
mRNA, partial cds

CGTGC GTTTTATTGGGGTGTGCTCGAGGCGGATTCCAATCACAACCAAACCTCAACATATTAGCAAGAAGAT  
GAATGATTCCAGCGTGCAACCAGATACAAGAGAAAAGTCTCCATCCTTGATGCTCGTGAACAACCTTATTCCA  
CTTCAGAGCTCCCAATTTACCAATCTGCAGAGTAAAAAAGTTTCTTCAGGAAAATGAACTACCGTAAG

>trans\_c\_6862 GQ998069|Bulnesia arborea voucher FLAS:M.J. Moore 334 23S ribosomal RNA  
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

GTGCGCTTTACTAATAGAAAAGTAAAGGCTCTAAGCTCCGCTCCTTCGACTGATTGTTGCGATCGGATCTCAGGT  
TCTCTATTGCACTCCCTAAATAGGGTTCTTTTCACCTTTCCCTCACGGTACTACTTCACTATCGGTACCCAGGA  
GTATTTAGCCTTGCAAGGTGGTCCTTGCTGATTCACACGGGATTCCACGTGCCCCATGCTACTCG

>trans\_c\_6863 X69640|G.max ADR11 mRNA

AGGGGACCCTGCAGCGAATGCATGTTGCCCTATTATATCAGGGTTGGCTGAATTGGAAGCGGCCGTTTGTCTT  
TGTAACAACCTTAAGATTAAGGCTCTTAACCTTAAAATCTATGTTCTTATTGCTCTTCAGCTCCTTATCACTTGCG  
GGAAAACCCCTCCTCTGGCTACACTTGCTCCCTTTAGTGTTGTTGTGGCGTTTTTGGTGGTGG

>trans\_c\_6864 X75898|S.oleracea pgm mRNA

ACGTGGGATGTCTTAGACAAGCTGGGCGCAGACACCTTTGGCTCTCTCCATCTCAACCCAGACGGCATGTTCC  
CCAACCACATCCCTAACCCAGAAGACAAAACCGCCATGTCACTCACTCGAGCCAGCCTCCTCGACCACAACGCC  
GACCTCGGTGTCGTCTTTGACACTGACGTTGACCGTAGTGGTGTCGTCAGCACATCAATACACAACA

>trans\_c\_6865 FJ038503|Gurania sp. MAG-2009 voucher BR2459 RNA polymerase C (rpoC1) gene,  
partial cds; chloroplast

CCGGATTAGATACGTCTCATCCGCGAGATATTAGCAATACGGGATGCCCCTGCATAACTTCCTGAAGTATTTCC  
CATACAATGGGTTCTTTTTCCCGAATTTTACTCTTAGCAACTCCTATGTTCTGAAGCAAAATGTTGTGCAATTAGA  
CCACGAATTA AAAATGTCTGGA AAAGCTCTATTGCGATTTGCGGAGGCAATCCACATCGATGTAA

>trans\_c\_6866 XM\_003074079|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g00660) mRNA,  
partial cds

AAAAGAAAAAGCTCCAGATGACGGGTCTCGCTCCTTCTATCCTTTCTGCCTCTTTCATTCTCTCTATGTTTTGTT  
GTTTTTTTCGAAGTTCTAAGACTCAAATTCTTTGAGCCTCTGACTCACTTTAGCTTGTTGTACCGGAGTGTTCA  
TCGTCAAAAGAAGAAGAAGAAACCCGACGCCTAGAAATTGATATAGGGGGGGGCGGGATATTCA

>trans\_c\_6867 XM\_002311983|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca1  
(Lhca1-2), mRNA

CGATTCAAACCCCTGGGGACACCTCCAGGGTACTTCTTCTCTCAGGGTCTTTCTCCATGCTGCGCTGGTGCTC  
TTGTTTTCGTTACCGTTCTTGAGTTACTGGTTTTTGGTGGGCAAAGTTCCCATGGAAGTGGTTGTCCCAAGT  
ATGTAGCTTGGCCTCTGGAAGTCTGCCATTCTTGAGCTTTCACCCAGTTGCCCAATCCCAAAG

>trans\_c\_6868 AY330424|Alophosia azorica 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGTTCAGTATATGACCCACAATGTTTACCTCTTAACGGTTTCACGCCCTCTTGAACCTCTCTCTTCAAAGTTCTTTT  
CAACTTTCCCTTACGGTACTTGTTGACTATCGGTCTCGTGCCGGTATTTAGCCTTAGATGGAGTTTACCACCCGC  
TTTGGGCTGCATTCCCAAACAACCCGACTCGTTGACAGCGCGACGTGGTGCGACAGGGTCCGA

>trans\_c\_6869 XM\_002875284|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata gapa, mRNA

GTACATGGTTACGTGGCGTCAGCCAAATCAACAACCCGTTGAGAGTAACCCCACTCATTATCATACCAAGCAA  
TAACCTTCACCAAGTCATCCCCATAACCATAGTCAAGGAAGAGTCGACAGTTGAGGAGACATCAGAGCACCT  
GAAATCGACTGAAACAAGGGGCTCATCACAACAGAGAGGATACCGTTGAGCTCCTTCTCAGCGCTTT

>trans\_c\_6870 GQ998163|Euonymus americanus voucher FLAS:W.S. Judd 8071 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 7 protein (ndhH) gene, complete cds; chloroplast

CCTTTTATGGCGGATATTGGCGCACAGACTCCCTTCTCTATATTTTCAGAGAACGAGAATTAGTATATGATCT  
ATTGAAGCAGCCACCGGTATGAGAATGATGCATAATTTTTTCGTATCGGGGGAGTCGCGGCTGATCTACCT  
TATGGATGGATAGATAAATGTTTGGATTCTGCGATTACCCCCAGGTCGCCAAGCTGAATATCTAG

>trans\_c\_6871 EU930861|Juglans cinerea marker CAPS10 genomic sequence; plastid

GCCTGAAAGTTGGGTAGGACGGCCCTTACGTAAGGATTATATTGCCCCAATTTTTATGAAATACAAGATGCT  
CATTAAATAATACGAAAATAATCTTCACTTCGACAACTCAAGATATTCAAATACATTTTTACGTTCTCTTATAGA  
TATAGCATAGTAATTGAAGTCTCATTCATCTTATTATTATTGATTAATAAATAACAAAATTAAGC

>trans\_c\_6872 GQ997884|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 photosystem II CP47  
chlorophyll apoprotein (psbB) gene, complete cds; chloroplast

TAGGACACCCTGTTTTTAGAGATAAAAAAAGAGAGAACTTTTTGTACGCCGTATGCCGACCTTTTTTGAAC  
ATTTCCGGTTGTTTTGGTAGACGGAGACGGAATTGTTAGAGCCGATGTTCTTTTCGAAGAGCAGAATCGAAG  
TATAGTGTTGAACAAAACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACG

>trans\_c\_6873 AB537375|Chamaecyparis obtusa co4 mRNA for Terpinolene, complete cds

TTCTTGAAAATGAGTAAAAATCATCAAGCATAACTAAATAACTTTTCAAGGATAAGTAACACCAGAAGCTCCAC  
CGACACCGCCACCGAGACCACCGAGTCCACCGAGTCCACCGCCGAGACCACCGCCGAGGCCACCG  
TGTTCCACCAATGCCACCCAATCCACCTCCAGTACCTCCAGTCCACCTAGTCCTCCACCAATTCC

>trans\_c\_6874 FJ669717|Viola pubescens 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCCACTCTGGTTAATTCCGTTAACGAACGAGACCTCAGCCTGCTAACTAGAGCGTCGGAGGTACCCCTCCGCG  
GCCAGCTTCTTAGAGGGACTATCCGGCTCGGCTCCAAGGAAGTTTGAGGCAATAACAGGTCTGTGATGCCCTT  
AGATGTTCTGGGCCGACGCGCTACACTGATGTATTCAACGAGTCTATAGCCTTGCGGCTGTCCG

>trans\_c\_6875 X52200|Mitochondrion oenothera bertiana mRNA for nad3 gene, rps12 pseudogene  
and ORF for NADH-dehydrogenase subunit 3

GACGTTCAAGAGAGAGACCATGACGATAGTTAACTATGAATGTAGGCATCGCCCTCTCACTAGTGATTACTCC  
CAATCCAAAGCACCCCTTTTCCATTCATAGAGAAATCCAATCGTCAAAATCAATAAAAAGGCCATCATGGACCA  
AAATCCAAAGAGATCAATCTTGTTGAGAGATACTGCCCAAGGAAAGAAAAGGTGACTTCCAGATG

>trans\_c\_6876 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

CGGGTACGTCGTTTGTGAGCGAGAAAATGGGAACTGCGGCTTAAGCCATTAGGTGTAGGCGCTTTCCAGAGG  
TGGAAGATTCTCGTTCTTCTATTTGACCCGAAACCGATCGATCTAGCCATGAGCAGGTTGAAGAGAGCTCTA  
ACAGGCCTTGAGGACCGAACCCACACGCACAATGTTTATGCCCCATGACAACACATGCTGGGTGTTT

>trans\_c\_6877 AJ236704|Humulus lupulus Hl7SL-2 gene and 7SL RNA pseudogene

GCCGAGCTCGGTAATGTGAGCTTGTAAATCCAAATGGAGGCATTAATGTGGCGTGGAAGCGGGCTCAACCCAT  
TCGGTAGGGTCTCTTTGGGAAGACTTACTAGCCCGCCATTTCAGTAGGAAGTTGGGCCATTGGCTTTGGGC  
GAAGGCCGAGAGTCAGTTGCCCTCGGAGTGGGGGACACCGCACAGAATCAACTCTGTGAGAGTCGACC

>trans\_c\_6878 AF181818|Korthalsella latissima 26S ribosomal RNA, partial sequence

GAGTTAAGCCCGACCGACCCAGCCCTTAGAGCCAATCCTTATCCCGAAGTTACGGATCCGGCTTGCCGACTTC  
CCTTACCTACATTGTTCCAACATGCCAGAGGCTGTTACCTTGAGACCTGCTGCGGATATGGGTACGGCCCG  
GCGCGAGATTTACACCCTCTCCCCGGATTTTCAAGGGCCAGCGAGAGCTCACCGGACGCCGCCGGA

>trans\_c\_6879 Novel Gene

GTGGATGGAGGTTGTTGCGAACATTTCCGTGTGTCCAAATAAAAAACCAATGAAGAAGAATCTGAACGCCTG  
AGAACTAGGGTACCTTGATCACAATGTATCAGTATTCTCCCTTATGGATTTCATAATAAAAGTTGTTTGCCAAG  
GTCCTTTCCCACTGAAAAATAAAAGATTGAAGATGGATTTCAAGGAAAAAAGATCAAAAAACAAGC

>trans\_c\_6880 FJ614806|Zea mays cultivar B73 p cluster, complete sequence

GATGAGACTCTCATGGTTCGTACCTTGACATCCAGCTTCGAATTATTCTCAGATGGGTACAGAATTGCAACGT  
CTAGAGTAGACGATTTCCCTTCTCCAATTGAAAAGGCTCCTCAGAATGATGGATGCTGACTTGCAAAGTTTTT  
TTCAAGTAATTCAATTCAGCGGGTTTTTTCGATTCCAAATCAGTCTTGTTTTCTTCTTCTCC

>trans\_c\_6881 NM\_001060041|Oryza sativa Japonica Group Os04g0553000 (Os04g0553000)  
mRNA, complete cds

CACGCAAACGGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCACTGAGTCGTAGACTCGTCACCCATGTATGGTAGGATC  
GATGATCTATGATGTTAATTAACGCAAACGGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCAGTCTGATGCTCAGATGAC  
AAACGTGCGTTGCTGAGTATGATCTATGATGTTATAATTGCGTTTGCCACTACCGTTCCAAGTAGT

>trans\_c\_6882 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

TTTGAATCCAACACTTGCTTTAGTCTCTGTTTGTGGTGACATAAGTCCCTCCCTACAACCTCATGAATTAAGAATT  
CTCGCAACAACAAGGTCTACTCGACATGAATTAGTAGTTAATGAAACCTTTTATAGGAATCCTTTCAAAAAAC  
TCTGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCACTTCCAATTG

>trans\_c\_6883 AF479085|Polygonum sachalinense 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GGAAAGGTTCCCATGTGAACGGCACTTGACATGGGTAGTTCGATCCTAGAGACAAAAAAAACCCCTTCTGC  
CGCGCAACAGCGCGAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCA  
ACGTAAGGGATTCCGGAGACGTCGCGGGGGCCTCGGGAAGAGTTATCTTTCTGTTAACAGCCTGC

>trans\_c\_6884 XM\_002868995|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata serine carboxypeptidase S28 family

AGCTTGTAACCCAAGTGGGGGCGTCAGAGGTGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCCGTGTAGGGCTTTACTGA  
GATGATTGCTGGCCTGCCCATTCCTCAAGTTGTGAGCTGGGCCTTGGGCTCTCGACGTAGGTTGGGAGTCCATTG  
CTCCTTAGGACAAAGGAAACCGCGTGAGGCTGGTTTCACAGAGCAGCGTGTGGACCCGCAGAACAGC

>trans\_c\_6885 Novel Gene

GTTTTGGATATTCAGTCTCATTCTCAGCTTTAGACAAAGGTGCTATTGAGATATTGGGCCCTATGGTATCTCG  
TACACATTCCGACTCGGTTAATCTATCCGCCTGACCAGGAAAAGTGGATTGTTTATCATTATGCCTTTGCAATC  
TTACTTGGTTTAACTCTATTTGTGACCTTTTTTTGTATGTGGGACTCTCTATCTTCTTGGGTA

>trans\_c\_6886 X69184|A.pyhllitidis mRNA for alpha-tubulin 2

ATGTATCCCTCATGCAGAGGGTCGCACTTGACCATCATGCTTGAGGGATCAAATACAGCGTTGGTAATTTTCAG  
GGACGGATAGCTGCTCATGGTAAGCTTTTGCAGAAAGAAATCACAGGAGCATAAGAAGAGAGCATGAAATGA  
ATACGTGGATAAGGTACAAGGTTAGTTTGAACTCGGTTATATCCAGGTAAGCTTTTGCAGAAAGAAAT

>trans\_c\_6887 Novel Gene

CACTCGAACATTAGGTTTACCTCCGTAATTACACCCGTGGAAGCGGGCTCAACCCATTCGGTAGGGTCTCTTTG  
GGAAGACTTACTAGCCCGCCCATTCCTCAAGTAGGAAGTTGGGCCATTGGCTTTGGGCGAAGGCCGAGAGTCAG  
TTGCCCTCGGAGTGGGGGAAAGTGTATACAGAATCAACTCTGTGAGATGATACCGTTGTCCCTT

>trans\_c\_6888 GQ916662|Allium ampeloprasum 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene,  
partial sequence; chloroplast

AATCGCACGCCGCCAGACCAAGGCCTGTTGAACCGTTAATCACGCTCTAGCCTCAAGGCAGTAGATCATCCAC  
CAGACTTTGGTTCTTGTCTCCTTAGAACTCAAGGACACAGATGTACAACCTAAGTACAGGTAATTCCTGTTGA  
AGGTCGTTTCGAGCTTTTCCTGGGAGTATGGCATGGGTTACTTCAGCGCCGTAGCGCCTGGTACTC

>trans\_c\_6889 GQ998663|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

TGGATTCTTCCATTTTTTTTCGTTCTATTCTTCTTCTGAGAAAAAGGGTACTTACTCAATAAGGGATTAA  
GGTTCCGATAGTCATTTATTTAATGGGTGGATAGGCGTATACTCTGGATCGGAATCGTGGGGAGTACTGCCT  
GATCATTTCTACAACTTAAAGCCCCAATTCGTATTCTTTTATATTATGCATTTTGC GGCTTC

>trans\_c\_6890 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)  
gene, partial sequence; chloroplast

GTTCTGTTTCATTATTTTGATTTAGGCTCTGGAGCACTACCAAAGTTTTTCAAAGAAGGGGTTATCCTGACGTA  
GGTATGCTTCTGACCTAGATCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAAT  
ATGAAACTTCATACACCTTAAAGTTGTTTATAAGATAGGACAGAAGTCGGGGTTTGTGACGC

>trans\_c\_6891 FJ549183|Junellia aspera pentatricopeptide repeat-containing protein gene, partial  
cds

TGCGGGTATAAGTACCAACCAGAAAGAAGAAAGCCGTCCTCCGTCTCATTGATAAGGACATATTCATATATAT  
TCAACTCCGGACTGGTCAGATTACGCTTTCGCTGCAGAAGTAGTAGAAAGTCAAGATCAGCCTATGATTCCCG  
TCAGGATAGTCATGTAAGAGCGAGAGCTGCTTCTAGTTCGAGAGAGAGACGAGAGCTCAGCAGAG

>trans\_c\_6892 AY221088|*Solanum tuberosum* cellulose synthase (StCesA4) mRNA, partial cds

AGGAAAAGGCGAGCAATGAAGAGAGAATATGAAGAGTTTAAGGTTAGGGTGAATGCTTTGGTCTCCATGGC  
TCAAAAGGTTCCCGAGGATGGCTGGACAATGCAAGATGGTACTCCGTGGCCTGGGAACAATGTTTCGAGACCA  
CCCTGGCATGATTACAGGTCTTCCTTGCCACCCGTTCTGGGTGTCGTGGTCTTCCCCTAGCAACA

>trans\_c\_6893 GQ983874|*Anopterus macleayanus* RNA polymerase beta subunit-like (rpoC2) gene, partial sequence; chloroplast

ACAGAACTGCTCGAGTTTTAGCAAAAGCCGCCCTCCGAGGTCGTATCGATTGGTTGAGAGGTTTGAAAGAG  
AACGTTGTTCTAGGAGGAATGATACCAAGTTGGTACCGGATTACAGACGGCTATACAATGGATCTTACCACGC  
CACCGCGAAGGGCTCAAAAAAAAAACCCCCCCCCCAAAAAAAAAAAGCCGGCGCGACTACCT

>trans\_c\_6894 AM711639|*Cuscuta gronovii* complete chloroplast genome

TCGGCCACTTTCACTGATTTTTACGGATGCGGGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCAAGTGGAAGTGCAG  
TGATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAAGTATAATATCGTAGCTGCTCATGGTTATTT  
TGGCCGATTGATCTTCCAATATGCTAGTTTCAACAAGTCTCGTTCTTTACATTTCTCCTCTCT

>trans\_c\_6895 GQ997839|*Rhododendron simsii* voucher FLAS:M.J. Moore 324 RNA polymerase beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TTTGCCTAGAGAAGATATGCCTTATTTGCAAAATGGAAGACCTGTTGATATGGTTTTCAATCCATTAGGAGTCC  
CCTCACGAATGAATGTAGGACAGATATTTGAGTGCTCACTCGGGTTAGCGGGGAGTTTGCTAGATAGACATTA  
TCGAATAGTACCTTTTGATGAGAGATATGAACAAGAGGCTCTCGAAAACTAGTCTTTTCCAAA

>trans\_c\_6896 X69731|*C. laevigatus* chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase and promoter region

TCTCTAAGGAAGTCTGGCAAAATAGCCCCGTAAGTTCGGGAGAAGGGGTGCCTCCTCATGAGAATTTTGTGA  
AAGGATTCCTATAAAAGGTTTCATTAAGTACTAATTCATGTCGAGTAGACCTTGTGTTGCGAGAATTCTTAATT  
CATGAGTTGTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTGGATTCAA

>trans\_c\_6897 FN563097|*Micromonas pusilla* plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain M1681

ATCAAGGCGACCCGCACGAAAGGTGCAACGACTTGGGCACTGTCTCAACGAGAGACCCGGTGAAATTATACT  
ATGCGTGATCTACGCGTATACCCGCGACAGGACGGAAAGACCCCGTGGAGCTTTACTGTAGCCTGATATTGAA  
TGTTTGTGCAGCTTGTACAGGATAGGTGGGAGCCTTTGAAGCACAGATATCGTAGGCATGTTGAAT

>trans\_c\_6898 Novel Gene

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCAGACTAAAATTGGTAGAGGTCAGCGGCT  
AAAAGTTAGTGGGTCAAAAAAAGTCTATAGCTATCGATACCATATTAAACCAAAAGCAAATGAACGAAAGG  
GCCACCTCTGGGAGTGGGAGTGAAACATTGTATTGTGTCTGTACGTATCGTGGACACTTTGCCAGT

>trans\_c\_6899 CT029386|Poplar cDNA sequences

CCAGGAACAGGGAAATCAACTATGATTGCTGCAATGGCAAATCTACTGAATTACGATATTTATGACTTGGAAC  
TCACTGCCGTGAAAAACAACACAGAGCTTAGGAACTTTTGATTGAGACTACTAGCAAATCGATAATCGTGAT  
TGAGGATATTGATTGCTCGCTTGATTAAACGGGGCAGAGGAAGAAGAAAGAAGAGAAGTGTCTT

>trans\_c\_6900 NM\_111591|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L13A (RPL13aA)  
(AT3G07110) mRNA, complete cds

AGGAGCTTGAGAGGAAGAGGAAAGAGAGGTCTCAAGCTGCATACGAGAAGAAGAAGCAGTTGACTAAGTTG  
AGGGTCAAAGCCGAGAAGGTTGCAGACGAGAAGCTCGGTCCTCAGTTGCAAGTAATAGCACCAATTAAATAC  
TAGCTTGTTTACAAGACAGACCTATGTTGAATGAGAATGCGTAATGTTATGGGAGAATAGAGTTAAA

>trans\_c\_6901 AF531479|Carica papaya S-adenosylmethionine synthase (SAMS) mRNA, complete  
cds

TTAGTGAAATGGCCATGGACACCTTGAGCAATATCAGGGCTCTGCTGCTCGATGTTGACTAAGACCTTGCAAGT  
TATCGGCATCAAGACCCACATCATCCGAGATGAATCCAATGGAACGGCAAGTGTCTCGGACGATTTTCTCGTA  
GTCTACGTCCCGGAACCATGTAATCTCTCAAAAACCATAACCATGTTGGTCTTGGTGCAGGTT

>trans\_c\_6902 AF240679|Cucumis sativus poly(A)-binding protein mRNA, complete cds

ACGTCGGAGATCTGGACCTGAATGTACGGATTGCGAGCTTTATGACATTTTCAATCAGGTGGGCCAGGTAGT  
TTCGGTTCGGGTTTGCCGAGACTTGACGACCCGGCGATCTCTCGGTTATGGCTATGTCAACTACAGCAACCCA  
CAAGATGCTGCAAGAGCATTGGATGTGCTGAACTTTACCCCTTTTCCGTTGCCAAGCGGCTCT

>trans\_c\_6903 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CGAGAGCTCGGCAAGAAGTACTTGGTACTACGATCATTGGAGGAACAATACCTAAACCTGAGGATACTCCAG  
AATCTTTTCGATTGCTCGTTGAGAATTACGATCTTTGGCTTTGGAAGTGAATCATTTCTTGATCTGAGAAGA  
ACTTCCAGATTAATAGGAAGGAAGCTTAATCAAAATGAATCAGAAAATTTTTTCTAATTAGGT

>trans\_c\_6904 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CTCCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTCATTCTCCTCCTATTCAACTAACTCAA  
CCATTTTCGAACACCTCATTGCATTTTCAGGGCCTTCGAGTCTAGCATTTCTGTATGATTTCTACTGTCCCTTCT  
TCTAATGGGTTTCGAATATAAAAATCATTTGAGGGGTTTGTGACGTATTAGCTCTAG

>trans\_c\_6905 NM\_001050543|Oryza sativa Japonica Group Os01g0705200 (Os01g0705200)  
mRNA, complete cds

AGAATGGGATTTGCCTCTGCCGGAGCGCAGTTGATTTCCCTTCCACCAACTGGGAGCAGTAGCCGCCGTGTCTG  
AGAAGCCAATTCAGCCACCTTACTCCCAATTTGCTTATCCTCTCCCTTCTTGAAATACAATAATTGGGGTGATT  
GGAAATGGAAGGGTAAACTGCGTTATTATAGCGTAAAGGGCCGAGCAGGAAGCAGCAGCAGC

>trans\_c\_6906 FN397617|Raphanus sativus Rfo genomic region from maintainer genotype

TTTTTTTATCCCCCTCGACCCTATTTGCGTAATTACTTGTACCGCATTACTAGTCATAGTATGGATATTATATTG  
TCAGGAAGACTATTTTACCTCTTCTTTATTTCTTTGTTTTTACAATACAAATAGGAGCGGTATTATTATGATTAT  
TATGTCACTGGTGCCAGATTGAAATGTCATTGAATGTGTCTATTTTTATTCTTTTTCG

>trans\_c\_6907 XM\_002958627|Volvox carteri f. nagariensis NADH:ubiquinone oxidoreductase 49 kDa subunit (nuo7), mRNA

AACTAGTTTCGGGATGATCGTAAGCTATGTCCTCCATCACGATCTCGAATGAACTATCCATGGAATCCTTAAT  
TCACCATTTTGAAGTTTATACAGAAGGTTTTCTGTACCAGCTTCTTCTACCTATACCGCAGTGGAAGCACCTAA  
AGGTGAATTTGGTGTCTTTCTGGTCAGTAATGGAAGCAATCGTCCTTGTTACACATGGTAT

>trans\_c\_6908 NM\_001073600|Oryza sativa Japonica Group Os12g0568800 (Os12g0568800)  
mRNA, complete cds

ACGCTCTTCTTCTTTCTTTCAATCCTCTCAATTTTCCCATTTTCAGGTGAAACATGGCATTGGAGGTTACGCAAGT  
TCTTCTCAATGCACAGTCTATCGATGCAACTGTGAGGAAGCAGGCAGAAGACAGTTTAAGGCAATTTTCAGGA  
GCAAAACCTTCCCAGCTTTTGTCTGTCTCTCTAGTGAATTAGGAAGTGAGGAAAAGCCGGT

>trans\_c\_6909 Novel Gene

ACCACGCTACATCCGCCCCCTACCCTATATATATATAATATAATATATATGCAAACCCGCACGGGCCCCCTTTT  
TTTTAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGCTCCTTTACTTTCAAGAACTCG  
TATACACTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTA

>trans\_c\_6910 L46848|Glycine max acidic ribosomal protein P0 mRNA, complete cds

CCCTGAGTCAGCAGCAGACACGGCAACAGCAACAGCAAACCTTACTAGGATCCGCAAGATACTCTTTAACCTTC  
TCAGCCTCGGGGAAGGAATAGTCAGTAGCAACTGCAACAGCAAGAAGGTTTTGTATGCATTGATGAGCATG  
TGTGGTGCAGCAGCCAGAGTTGGGTATGAAATGGCCAATGAAAGGGATGTAACCATGGAAACACC

>trans\_c\_6911 GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

CCTCAGAAGGTCCAAAATCCACCCACAAAGGCGCTGGAGGGCGTTCTTCTCCCAGGACCTCGGTGCAGCTCT  
CAGATATGGAGTTGGATGAATGTGAAGAGACCACTCTTCACGATGTCAACATTGAAGAGGAGATGCGCAGGA  
AGCAAGTACAAGAGGCATACGATGAAGATGAGGATATGCACGGCGGAGCATGTCTCTGTATCAC

>trans\_c\_6912 XM\_002863254|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase 49KDa  
protein, mRNA

TAGATGGAATACATTGTGCAACCCTAAAAAATAGCTACTATGTTTACAGAAGCAATAACCGTAAATGGTCCAG  
AACAGTTGGGAAATATTCAAGTCCCCAAAAGAGCTAGCTATATCAGAGTAATTATGTTGGAGTTGAGTCGTAT  
AGCTTCTCATCTGTTATGGCTTGGCCCTTTTATTTATTTATAAAATATGTGAGGAGGGGGAGG

>trans\_c\_6913 DQ870622|Philodendron wendlandii external transcribed spacer and 18S ribosomal  
RNA gene, partial sequence

TATACTGATTTAATGAGCCATTCGCAGTTTTCACAGTCTGAAATCAAGATACTTACACATGCATGGCTTAATCTTT  
GAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTACAGTTCTCGACTCCCTTCCGTTGATATTCCAGTCAT  
AAATTGATCGGACATGTTTAAATCATCATCACTATGCTTCCCGACGATGTAAAAATCAGT

>trans\_c\_6914 EF568780|Prunus persica pectase lyase mRNA, complete cds

GATCATTGCTCTTTATCAAAGTGAATGACGGGTAAATCGACGCGATTATGGGTCTACAGCGATTACGATTTT  
GAACAATTACATGACGCATCATGATAAAGTGATGTTGTTGGGGCACAGTGATTCTGTATACTCAGGACAAGAAT  
ATGCAAGTCACCATTGCTTTTAATCACTTTGGTGAAGGTCTTGTTCAACTCCGTAAACAGCA

>trans\_c\_6915 Novel Gene

GAGAACAAAGTGGCGAACGGGTGCGTAACGCGTGGGAATCTGCGCTTGTCAAGCCCGGTTTACCTGAAGAA  
AGCTAAAAAGCGCTGTTTGATGAGCCTGCGTAGTATTAGGTCGTTGGTCAGGTAAAGGCTGACCAAGCCAAT  
GATGCTTAGCTGGTCTTTTCGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGTGTGCCGGGCCTGAGGGTGT

>trans\_c\_6916 Novel Gene

CTGGCAGCAAGGGGCTGTCGAGGGCAGGTAACGATGAGCGGGCTTTTTCGTCATAGCCTTTTCTTATCTCCA  
CCTCCACCCTTACCTTCTCTTTCGTTCAATCTATACATCTAATCTCACACACATCACTGTTTGTAAGGTTTTTAT  
GAACAAATTCCATTTGCTTTATACCGTGTATGATTCTATGAAAGCTATGAGATCTGAGG

>trans\_c\_6917 NM\_001054470|Oryza sativa Japonica Group Os02g0717800 (Os02g0717800)  
mRNA, partial cds

TGTACACACACACACGGTGAATTTACAATGTTTTGTCCACATGGAGCACATATGAGCATCAAAGCTTCAACATA  
TCTGCAACGATGAACATAGTCAATTTACCAGACTCGTAACTGTATCAACCATTGCAATAAGGAGGATACCTGA  
CTTATGCCTGGGAATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCC

>trans\_c\_6918 FN563080|Chlorophyta sp. CCMP1205 plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 1205

CAGAAGAAGCACCGGCTAACTCCGTGCCAGCAGCCGCGGTAATACGGAGGGTGCAAGCGTTAATCGGAATTA  
CTGGGCGTAAAGCGCACGCAGGCGGTCTGTCAAGTCGGATGTGAAATCCCCGGGCTCAACCTGGGAACTGCA  
TTCGAAACTGGCAGGCTAGAGTCTTGTAGAGGGGGGTAGAATTCCAGGTGTAGCGGTGAAATGCG

>trans\_c\_6919 Novel Gene

AGCACGAGTGGGCGAGAGTAGTACTAAGTTGGGTGACCACTTGGGAAGTCCTCGTGTTGGTTCAAAGTTAGC  
GAACTGAAACATCTTAGTAGCTAAAGGAAGGGAAATCAACCGAGACCCCCAATCTAGCGGCGAGCGAGAGC  
GGATTGGGGGTTTTAGAAAAAGGTAAAGCACTGCCCTAACATAAATTATAGAGTATTGAAACAAT

>trans\_c\_6920 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

CACTCATCAGGCCGCGTATAGTGAAAATAGGCCTCACTTCTTCCTTCTTTCATTATCTCCCAAAGCGGGCAC  
TAGCGATCGACGTGAAAACACCCGATCCCATTCCGACCTCGATATGTGAAATCGTCTTGCGCCATATGTACTGA  
GATTGTTTCGGGAGACATGGTCCAAGCCCGCTGATGAAGGTTAACATGTCGTCGGTCTTAC

>trans\_c\_6921 AY251296|Stellaria longipes 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast  
gene for chloroplast product

TTTGAGTAAGAGCCAATTTCTAGAGTACAAAGGCAGAAGGGAGCTTGACTGCAAGACCCACCCGTCGAGCAG  
GGACGAAGACTAATTCCGACAGCTTAGTAACATTTCTGTTCTTTAATGGCGAGTTGCCTATTTTCAATGAGAT  
CCCTATTGTCCGACTAGAAGGGGTTCTCGAGTGTAGCTGCCCTTCCACCTCGTGAGTCGGAAA

>trans\_c\_6922 EU431331|Malus hupehensis arginine decarboxylase mRNA, complete cds



CTCTCCTGACTCTACTCCACCTCTGAACTATGTCATGGTCTCCTCCTCTTCGTCCTTCTCTTTACAAGATTGAT  
GGGTGGGGTGCTCCTTATTTCTCTGTTAATGGTTCTGGGAATATGGCTGTTTCGTCCTTATGGGACAGCTACTTT  
ACCCCATCAGGAGATTGATTGCTTACTTAACACTTCTCCGAAGTCTAGGCTAACT

>trans\_c\_6923 AB517043|Cardamine nipponica CRY1 gene for cryptochrome1, partial cds,  
haplotype: G

GATACTCTCTGGATGCAGATCTAGAGAGTGATGCGCTTGGGTGGCAGTACATATCTGGAACACTTCCCGATA  
GCCGCGAATTTGATCGCATTGACAATCCACAGCTGGAGGGTTATAAATTCGACCCAAATGGAGAATATGTCCG  
GAGATGGCTTCCTGAACCTTCTAGATTACCCACTGAATGGATTCATCACCCATGGAATGCAC

>trans\_c\_6924 X85038|S.oleracea mRNA for 6.1 kDa polypeptide of photosystem II

CGTGACTTCCCTGACCGGAAGGTAAACCAAAAGAGCAACAATCTTCTTGGTTGGATTCTGTTGGGAGTTTTTG  
GTCTCATTTGGGCATTTTACATTGTTACACTTCTACTCTTGAAGAGGATGAAGAATCTGGCTTATCTCTTTAAG  
CCAACATTTCCCATCTTACTTACTATTATTAATTATTGCTACTTTTGTTATTGTTGTGT

>trans\_c\_6925 NM\_117074|Arabidopsis thaliana catalytic/ glucosylceramidase (AT4G10060)  
mRNA, complete cds

ACCATTCCGGTAGCCTTTTGTCTTCAATGATTGGCCTTTGCCATGCTTCTATCTCAGCCTCCCATTTTCCATGTTT  
CAAAATAGCATCATGTGCAATAGTTCTAGCTGCATCTCCGAGAGTTCCGTAAAATTTACTATACCGTCTATGGT  
ATGTCTTCCCATCAAATTTGACTTCAGGGCAGTCCCAAGCCAATGAGAAAGTGACCGT

>trans\_c\_6926 EF690041|Boechera fecunda genotype VP2 Golm66 gene, partial sequence

ATACGCGACGGGAACTTCTGCGAGGAAGTCTTCTACTAAAAGGAAGCAGACTATTCCTATATCTGCAAAGTT  
CCGAGTAAACGTCGCACATAAATTCCTAACGATGTTGATGGACGTTCTTTTAAGGATGTTCTCCGTTGTGGGT  
GGTCTCATATTCCGTCGCCTTGTGAGATGATACTATCATGGCCATTGTTCCACTGACCGGT

>trans\_c\_6927 AF528899|Euonymus alatus photosystem II cp47 protein (psbB) gene, partial cds;  
photosystem II subunit T (psbT) and photosystem II subunit N (psbN) genes, complete cds; and  
photosystem II subunit H (psbH) gene, partial cds; chloroplast

AAACCTGTGTAGGAAGGTGTCCTAAGATTATTCCTCGTTTCATCATTTGATGATATTGTGAGGCTCATTACTTC  
AACTAGTCCCCGTGTTCTCGAATGGATCTCTTAGTTGTTGAGAGGGTTGCCAAAAGCAGTATATAAGGCAT  
ACCCAGTAAAACCTACAAGTAAACCAGATATAAAGATGGCAACTAGGGTTGCTGTTTCCAT

>trans\_c\_6928 NM\_122026|Arabidopsis thaliana binding (AT5G20190) mRNA, complete cds

CCCCAACCTCATTCTCTATGGGAGTCAGGGGCAGCCTTAACAGCTTGATTAAAATAACTCTCAGCTCTTGGAGA  
GTCCTTTTGAGTTTCCCATATCAGATCAGCGTACATGGACAAGACGTTACCATCCTCCGGATTGTTCAAATTG  
CTCTCCCAATACTCTTGAGCTTTCACAAGATCCCCACGTACCTCTTCAAGAAACGAG

>trans\_c\_6929 AY215136|Layia heterotricha ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase  
large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

ATCTTTTTTTTCCATAAACCCCCATCGCTAAGCTTCAGAAACCTAGCTTCCATGGCGGAATTCGTGGAAGCAA  
CTTTATTCTTAGAGCCACTGCACATATCCAGCTCCTGGAAGTAAATTGAAGGAAGAAACAGGTGCAATGATTG  
AAAATAGTGGAAGTGAGAAGAGAGAAATAAATACCGCGGCTTCGGTCTTTTTCAATAAAAT

>trans\_c\_6930 AP009371|Capsella bursa-pastoris chloroplast DNA, complete sequence

AACAACCCAGAAAGCGGTACCATAAAATGTAGCCGTTATTGGGACACAGATCAGCCGTGGAAAAAGCAAAA  
GGCTAATCTGCAACACTAAACGACGACAATCTAGCACGAGCAATGGGGCTATCACCGTCATGGAGATAATAA  
GAGTAGCCCGGGGTGCATCGTGCATAGTTGAAGGTCGTTTCGAGCTTTTCTGGGAGTATGGCAT

>trans\_c\_6931 AF408801|Klebsormidium flaccidum ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial  
cds; chloroplast gene for chloroplast product

AACAATGTCCCTCTTTTTAATCTTGGAGGGAAGATTGTTAGTTTATAGGTGATTTAGGGGTTAGTAGTAGT  
TTAGTGGTAGTGTAGTGTTTACATCTTGAATCAAGAGACAAAGGGATGTAATGAAACAATGTCCCTCTTTTT  
AATCTTTTTTTTAGATAAAAGGTCGACAGTTTGAGACAAATGCATCTGTCGTTATCACAG

>trans\_c\_6932 GQ998448|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

TGTGAGGTGAAGCGGACTCAAAAGATCAACCGGATTGAGTTTTCACTATTATTTTATGTACTACCATATGTGT  
ATTACCATAACACAGCCGATTGAGCAAAAATGAGTGGATGGTTAGAAACACCAAGATATACAAAGGATTAGT  
AATGGAGATTTTCAAATTATCCAAAACCAAAGAGAGAGAAGGACCGGGGTACCCCGTTT

>trans\_c\_6933 XM\_002314438|Populus trichocarpa dehydroquinase dehydratase/ shikimate  
dehydrogenase (DHQD4), mRNA

AAGACCTTTTAACATTATACAATTTTCAGACAGATAGGGCCTGACACAAAAGTTTATGGAATTATTGGAAAGCC  
AGTGGGCCACAGCAAATCTCCCATGTTATTCAATGAGGCATTCAAGTCGATAGGTTTCAATGGGGTTTATGTG  
CATTACTTGGTGGATGACATAGTAACTTTCTCCAACTTACTCATCTCTACCTGGTTGAT

>trans\_c\_6934 GQ435577|Luffa aegyptiaca voucher PS0469MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial cds;  
chloroplast

TAACTCATATATCTTTTCGGTCAAAAGTATTGTCATTACAATTCAGTTAATAACCTTATTAATCAATGAAACCG  
TAGGACTCTATGTTTCGTGAGAAAAGGGCATGATAGTTACTTTTTCTGTATAACAAAGAAGGGGGGACTAGA  
GGGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCATGC

>trans\_c\_6935 AC092750|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare from  
chromosome 10, complete sequence

AATCGAAAGATTCATGTTTGGTTCGGGAAGGGATCGTCGAAGTTTTGAAATGAATGGAAAGACAATCTACTTT  
CATTAAGTGATTTATTAGATAATCGAAAACAGAGGATCTTGCCCCACCGGAATCATGGTATGCACTTCCGTGTA  
CTAGCTAAAGCGTTACGTATGTCTGGTGGAGACCATATTCACGCTGGTACATGCTGGTTG

>trans\_c\_6936 EU385292|Platycarpha carlinoides NADH dehydrogenase subunit D (ndhD) gene,  
partial cds; chloroplast

AAGAATAGCTTATTCCTCCGTCTCATATGGGTTTCATAATTATAGGAATTGGTTCTATAAGCGATACGGGAC  
TGAATGGAGCTATTTACAAATAATCTCTCATGGATTTATTGGCGCTGCACTTTTTTCTTGGCAGGAACAAGTT  
ATGATAGAATACGTCTGGTTTATCTCGATCTATAGGGAGGACTGGCTATCCCAATTCC

>trans\_c\_6937 XM\_002884757|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SNF7 family protein, mRNA

TGAAAACAGTCAGGATACAAGACATAGATAACTTACAAGATGAGATGATGGATCTGATGGATGTGAGCAATG  
AAATTCAAGAGACTCTTGGTAGGAGCTACAATGTACCTGATGACATTGATGAGGACGAACTTTTGGGTGAGCT  
TGATGCCTTGAAGCAGACATGGGATTTGAACTGAAGCTGATGGGGTTCCATCTTATCTCC

>trans\_c\_6938 GU480917|Vitis vinifera cultivar Muscat Hamburg beta-glucosidase (BG1) mRNA,  
complete cds

CATGTAGGGTATATGAACCAGGAGAGGGTATGAATTTAGCAGCACCTTCATATTGATAAGCAGATGATGCAC  
AACCAACAACAAAGTTTTTAGGGAAGTTGCTTCTCTTATATGGGACATGATAGTAGGATCCATTGGAAGTAG  
TATGTGAGAATAAGTAAAAATAAGGCAATGAACCTAGAACCAAGAAATTAAGGAAGCCCTTA

>trans\_c\_6939 Novel Gene

AGTGTACTCAAAACAAGAAGCATACTGGAAGATCTCAATCGGACAGAGAACTGAGATGTGATCCCAAGCTTG  
TATTAGCAGGATTGGCCTCAGCCTTGGCCGAGTTTCTGGAATCCGAGAAGAACATAATATGAAAGTGATTTA  
AGCTGTCTGTGACATGAAATGCGTAGTTGGTTTTACTGGTTCCTTGGGTGGTTCAGTTCAGT

>trans\_c\_6940 DQ673259|Jasminum subhumile psaA-psbB fragment, chloroplast

TCACCGTTTGC GTTAATTAACATCATAGATCTGGCGGAAAGAGAGGGATTCTGAACCCTCGGTAAACAAAAGCC  
TACATAGCAGTTCCAATGCTACGCCTTCAACCACTCGGCCATCTCTCTACAGAATGATTATGGCCCAGAAACC  
GAGTTAATAGTGAGTCATTAATATTCAATTTTTTTTTTGC GTCTATGTACCCAACCAATCT

>trans\_c\_6941 XM\_003080816|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot08g02940) mRNA,  
complete cds

AAGATGATTATCAGTCTTAGGAGTGAACCTGGAGGGATCTTGTTCAAAGTACTACGAAAGCGAGAGAGAGACT  
ACGGGGTCAGGGTAACCTTCAACCTTTCCGGGCTGGGGCAGGCCTACCTCCTTTTAGCACGATTCAAGGAATC  
ACCTTGTCTCTGAATCATCGGATTTTTCTTCTCTCTCCGAATAATCGGATTGAGCCGTGAA

>trans\_c\_6942 NM\_001068821|Oryza sativa Japonica Group Os08g0524200 (Os08g0524200)  
mRNA, complete cds

ACTCGGCGGCGAGTCGGCTGCAGTTCAATACACTACTCATCGCAACATTGGGATTGCTCTGTTGCCTTAGGA  
ACTCTTCAGGTTTTTGCTTTGCTTTTGAGGCCAAACAAGGATCATAAGTACAGAATTTATTGGAATATTTACCAT  
CACTCCATAGGATACAGTGTGATCATTATGAGTATCATCAATGTGTTTGTTCCAAATT

>trans\_c\_6943 EF643373|Cicer arietinum cultivar Vijay 14-3-3-like protein (1433) mRNA, 1433-2  
allele, complete cds

AAACAGGCTTTTGATGAAGCAATTGCTGAGTTGGATACACTGGGCGAGGAATCGTACAAAGATAGCACTTTG  
ATCATGCAACTTCTTCGTGACAACCTCACCTATGGACTTCAGATATGCAGGACGACGGAGATGAGATTAAAG  
AAGCAGCTCCCAAACGCGATGACGAATAGTAGCGAGCATATACTAGAGATCGTACGCATTA

>trans\_c\_6944 AF487258|Stephanandra tanakae isolate 171 tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE)  
genes, complete sequence; chloroplast genes for chloroplast products

GGGGGCCTAGACTTCCCCTGGGGGTAGGGTACTACGAAAGGAAGTTGATCATGGATTATCAACAAGCTTGGA  
ATTGATTCTTCCCGGGTCGATGCCCCGAGCGGTGGCAAAAAGTAAGTCGTAAATTCGTTGGCAATATGTCTACG  
CTGGTTCAAATCCAGCTCGGCCACACGTTCCACGGTGCCTACTAAGAGGCACACTGGG

>trans\_c\_6945 XM\_003080665|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot08g01420) mRNA, complete cds

TCCTCTGGGCTCTTTGAGCGTCATCCAGACCATATATATTAGTGGAATGAACTTCGTCGGGCTCCTTCTAAGTG  
GCAGAATAAGGAATGAGCTTGAAAATTCTGAGATAATTCTTTGATCCTTATCAGTCGAGTTATTTATAACCTA  
CGGACGGACCCTTAATTGAATCCATATTCATCTGATTTGAAAAAGAGATATGGCTCTT

>trans\_c\_6946 DQ629326|Phyllocladus aspleniifolius large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TTTTACCAAAAAACACAGGTCTCCGCAAAGTCGTAAGACCATGTATGGGGGCTGACGCCTGCCAGTGCCGG  
AAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATGACAGGAACCTTCGGCGACCGAAGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAT  
GTGCGGTAACCTCGGAACGATAGGGCCTTCCAGATTTGCCTGGAAGACCCGCACCTTTCCGCA

>trans\_c\_6947 AY727467|Trillium texanum tRNA-Tyr (trnY) and tRNA-Glu (trnE) genes, complete sequence; chloroplast

CTTTGGCTGTGTCCACCCATCCACGCCCCATCGTCTAGTGGTCCAGGACATCTCTTTCAAGGAGGCAGAGG  
CCCGCTACTCCGACGTAGCGAAAGGTATATGCGAAAGTTCGTTCCGCCCCGCCACGAGGGCTTTTGGGCTCAA  
TGATTGGACCATGCAAAC TAGAAATACCTTTTCTCCTCCCTTTTCTCGGTGAGGTA

>trans\_c\_6948 GQ131539|Nicotiana glutinosa cell division control protein (CDC48) mRNA, complete cds

AGACTGTACAATATCCAGTGGAGCATCCTGAGAAGTTCGAGAAATTTGGAATGTCACCCTCAAAGGGAGTTCT  
TTTCTATGGCCCTCCTGGATGTGGAAAACTCTTCTGGCCAAAGCTATTGCAAATGAGTGCCAGGCAAACCTCA  
TCAGTGTCAAGGGTCCTGAATTGCTTACAATGTGGTTTGGAGAAAGTGAAGCCAATGTT

>trans\_c\_6949 CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

AACACACGAGGCTCCACGTTTCGTAACACCGCGCAAGCCCATCCGAGCGTCAACTCGACACCCGCTCTACTCC  
CTGCCAACGGTCGGACGTGGCACTCCGACGAAACCCGTCCACCAGATGGAGGATGGCTGCAAGACATCTCG  
TATCTTCACGAACAAGCCCGCTTGGAGTGCACGCCACACCGAGGTGCAAGCATTGTCCGC

>trans\_c\_6950 NR\_022607|Arabidopsis thaliana (AT2G35742) ncRNA

CGAAGACAGCCACTCCCCTCGCCAAAAATTTTTCCCCCCCCCAATAATACCCGATAGGTAGGCCTCTGACT  
GACAACCACTTTTTGGCAGTGATGAGCTTATGAGATTGTCATGCACCACTCTGATGATATGTGCTGATAAGTTT  
CTCTAAACCCATTGATCTGAGCCTCTCTCATGAGAGACCTAGAGGACCGAGTCCTAC

>trans\_c\_6951 NM\_001073669|Oryza sativa Japonica Group Os12g0581800 (Os12g0581800) mRNA, complete cds

TTTTGGCCCCTGGCGACGGGTTTCCAATAACCGGAGGGACTGGCAGTACTGGTGGAATGGGAACACTTGGGA  
GAGGAACCACGGGAGGAATGGGGACGGAAGGAATGGGAACAGCTGGGATAGGAACGACGGGAGGAATGG  
GGACGGGAGGGATTGGAACGACGGGAGGAATGGGGACGACGGGAGGGACCTTGAGTTTTCTGGG

>trans\_c\_6952 DQ673261|Menodora longiflora rps16-rpl20 fragment, chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCCAGTGCTCTGACCTAATCCGAATTATAGAGCTATG  
ACACAATCAAATCCGAACGAACAAAATGTTGAATTGAATCGTACCAGTCTTTACTGGGGGTTATTACTCATTTT  
TGTACTTGCTGTTTTATTTTCATCCCGCAACCCGAGTCTTTGAACGCAAGTTGC

>trans\_c\_6953 AY189033|*Apiopetalum velutinum* 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GGGGGAAAAGGTTCCATGTGAACGGCACTTGACATGGGTAGTCGATCCTAAGAGACAAAAACCCAAAACCT  
CTCATTATATGACAGCGCGAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGAC  
GGCAACGTAAGGGATTCCGGAGACGTGCGCGGGGGCCTCGGGAAGAGTTATCTTTTCTGTT

>trans\_c\_6954 EF207456|*Ribes americanum* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

ATACGAGCCTGCTGCCTAAACAAAACAGATGAGTGCTCTCCTCGCCTCGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCA  
CAGCCGAGACAGCGATGGGTCTCTGCCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAA  
GGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCAGTGGAACACGTGTGATGT

>trans\_c\_6955 XM\_002893038|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* tubulin beta-5 chain (TUB5), mRNA

CAGCCATGTTTCAGGAGAAAGGCTTTCTTGCACTGGTACACTGGAGAAGGAATGGACGAAATGGAGTTCACCG  
AGGCTGAGAGTAATATGAATGATCTGGTTGCCGAGTATCAGCAGTACCAGGATGCGACTGCGGATGAAGAGT  
ATGAAGATGAGGAAGAGGAAATCCCTGTTTGAGCCAACATACCCGACAACCTGAACTAATTC

>trans\_c\_6956 Z11512|*L. luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

TGTCTGCTGAATTTATGCGCTGTCCATTTTGCTCACCAAAGCGGGCACTAGCGATCGACGTGAAAACACCCG  
ATCCCATTCGACCTCGATATGTGAAATCGTCTTGCGCCATATGTACTGAGATTGTTGCGGAGACATGGTCCAA  
GCCCCACTACGCCTTGCCCGCGTGATGATTGAGGCACACTGACACACTTGTGTTTCA

>trans\_c\_6957 EF205595|*Mangifera indica* large single copy region, partial sequence; and inverted  
repeat, complete sequence; chloroplast

CGCACGAATCGGATTTTTTGGAGGAACATATCGAGAGAGAATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAA  
ACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGTACGGAATGTCTTGTCAAATATTCAATATGATTCCACAAGATCTAGTTTC  
GTTCAAGTAACGGATTCTAGCCAATTGAAAGGATCTTCTGATCAATCCAGAGATCATTT

>trans\_c\_6958 EU749523|*Cornus sericea* voucher OAC:JAG343 AtpF (atpF) and AtpH (atpH) genes,  
partial cds; chloroplast

GGGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTTCGTATTTTGCTCTTGCTTTTTTGAATTATACGA  
AGCTTTCACTCCTACAATTACTTATTCGTTGGGACAATAACCTATGGGAACCTAATGAGGATGAGGCATT  
AGCATACTGACTCGCCTTCTTCCTTCCCTTCTTAGTCCAGCTCTTGTGATTTTGAAC

>trans\_c\_6959 EU050679|*Physcomitrella patens* calcium-dependent protein kinase (CPK9) mRNA,  
partial cds

TCATGGAACCAGATGAGGATTCGACCAAGAAAAATCCCCCTAAACCAAATCGCTCCAGTTGCTCCCATCCGA  
TTACTATTCCGTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCTTTTTGGAGTGTCATA  
CGGCACTTCTATCAATTGTGGGAGTGTTTCGTCATTGGAACCCCTTTGACTTGTGCG

>trans\_c\_6960 AB240139|*Nicotiana tomentosiformis* chloroplast DNA, complete sequence

ACAAGAATTGGGGCCTCACAATCACTAGCCAATATGCTTTTCTCTCATGCCTTTCTTCGTTTCATGGTTCGATATT  
CTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACCAACCAATCCATCCCGAACCCACTTAAGTTGATCTAGGTCAGAAGCAT  
ACCTACGTCAGGATAACCCCTTCTTTGAAAACTTTTTGCTGTAGAAGAGGGGATTT

>trans\_c\_6961 EF514212|*Solanum tuberosum* strain P6/210 contig R1, complete sequence

AAGCGAACAAAGGTAGGCTCGCTTCCTGTCTTGTCTCACGACGCTGTTGGGATCGCTCGCCAGCTAGGTCAG  
ATTGGAGCAACCTTTTATGAGAACATATTACCCTTATTCGGGGACAAGGGGCGGAACGACCTCTCGATCTACT  
TACAGCTGCCCAGGAAGAATTCGTCTAGGCCTTCCCTCTTGCTCCGATCTCCCCGTAGC

>trans\_c\_6962 AF411510|*Prunus leveilleana* var. *pendula* PSII D1 protein (psbA) gene, complete  
cds; chloroplast gene for chloroplast product

AGGAGTTGTAGCGGCGCCCTACTTCTGCAGCTATCGGTTTGCACCTTTTACCCATAAACCCCTTCGACGATCCGT  
TGATGAATGGTTATACAACGGTGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCATGTTACA  
TGGGTCGAGTCACCCTTGAATCAAAGGCACTGGGTATGCACTTCCAAGCCATGTGG

>trans\_c\_6963 Novel Gene

ACAACGACTCTCGGCAATAATTATCTAGATATATCGATGGATATCTATCAAATCGATAAAAACTTTTTTTTATTA  
GGAATTCCATTTAGATAAATTAGATTTCATTAGATAAGGGCTCAAAGAAGAGATATCTTCAATCCTAATATAT  
AAATAATACCAATATATTAAAGATTCATAAAAAATATTTATAAATATTTAAATAA

>trans\_c\_6964 DQ338538|*Saussurea involucreata* ribose 5-phosphate isomerase-like (RpiA) mRNA,  
complete cds

CTGCTACTTCAGCTAGGCTTGATATAGGAGATGTAAATATGACATCCAGTACGTTATGCCCTTCTCTAGTGACA  
AATGGGAAGTCGCCCCAAGGGGACCTGCATGCCAATCGATGGCCTCCTCCATACCTCTGCATCGCCTAGAA  
AGAGATCGTCAATTTCTTCTGCAGTTTGCATCCAGTTAAGAGAATTCATAAACTG

>trans\_c\_6965 DQ536734|*Sicyosperma gracile* voucher M. Fishbein et al. 2565 (MO) maturase K  
(matK) gene, partial cds; chloroplast

ATTCCATTTTCCCTACGATTAGGCGAGGAAGGGGGGAGGAGGAGGGCTATGGGGCTCCGCGGCCCGTAGCT  
GGACTGCCTGGCGCCCTTCCCCCGAGAAGCGGGCCTTTGTGCCCGGGCCGCACACTGAGCATATTAATACCC  
TATCCCCTCCATCTGGAATTTTAGTTCAAATCCTTCGCTTCAAACAGGGAGCAAAGAG

>trans\_c\_6966 XM\_002298418|*Populus trichocarpa* tubulin, beta chain (TUB13), mRNA

CTGAAAGGGCACCTTATTGTGTGAGCGAGCAATTCAGTCCCATGTTTAGACGAAAAGCGGAGGTACGGTTGC  
ACACAGGAGAAGGAATGGACGAGATGGAGTTCACTGAAGCTGAAAGTAACATGAATGATCTTGTTTCTGAGT  
ACCAGCAGTACCAAGACGCCACAGCCGAGAGCAGACGCCGTAGGAGGAGGAGCAGACTGC

>trans\_c\_6967 AY189054|*Centella erecta* 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

CCGGGGGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACC  
CGATTCCCTTTTGAAGTTCGCGCTGTCGCGCTACTCAGTTTTGGGTTTTGTCTCTTAGGATCGACTAACCCATG  
TGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTG

>trans\_c\_6968 X57163|T.aestivum nad4 mRNA for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

GCGAGGTGTTGGCACATAGAAAAAGGGCTGAAGAAACCAGTCCATGACTTAACATCAGTAAAATGCTACCTC  
CAATTCCTGTATGTTTCAGACTAAACATACCAATAGTCACCAGATTCATATGGGCTACTGAGGAGTAAGCAAT  
GATCTTCTTAAGATCGATCTGTCTTAAAGTGGTCAAGGAAGTATATATTATAGCAATCT

>trans\_c\_6969 AY780661|Pediastrum boryanum strain Heg 1976-16 18S ribosomal RNA gene,  
partial sequence

ATAGGGTTCGATTCCGCTCTCTTTCTAACAGAAAACGGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAAT  
TACCCAATCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCCCGCCACATACCAAATCAGGATGACTCAACGGCCAAGG  
CAGACGTGGCTCGGGCTTTCCGGTAGAAATCCAACCGGAAAGGTTTGTTAAGAAATGCA

>trans\_c\_6970 DQ887507|Oocystis lacustris 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATAGGGTTTCGATTCCGAGAGAAAGATTTCAGAAAACGGCTACCACATCCAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAA  
ATTACCCAATCCTGACACGGGGAGGTAGTGACACGCCCCGCCACATACCAAATCAGGATCTGAGTTGCCGGTTC  
CGTCTGCACCGAGCCCGAAAGGCCATCTTCGACAAACGGAAAGGTTTGTTAAGATTACGA

>trans\_c\_6971 NM\_001066927|Oryza sativa Japonica Group Os07g0636100 (Os07g0636100)  
mRNA, complete cds

AGGGCAATCCAAGAGAACAGTGCTGGAGGAAGAGTGGAAGAAATTGCATCTTGCAGAACTCGAGCTTTTTCT  
GAAGAGGACGGAGTTGATTAGGGATCAGACAAAGTTGATACTGGACGCGTACAAGTCATCTAGCAAGTAAA  
GAATTGAAGTTTGGACAAGGGTATAACTCATCAGCTTCCAGGTTGAACCCAGATCACTAG

>trans\_c\_6972 NM\_102773|Arabidopsis thaliana ERD4 (early-responsive to dehydration 4) (ERD4)  
mRNA, complete cds

TCCTACCTGACTCTCAGAGCAGTGACGTGATTATAAGCTTTCCATGTCAGGTAATATACCACAAAGGAAACCCA  
GTAGGTGGCTAATAAGAAGGCCCAAAGCCGATTACTCCGTAGATTGATATTTCCCATGGATAAATTGTCAAGT  
TCACTGAAAGTACCAACACTTTGGGTATTATTCATTTTAGCATTCTTAATCCCATCA

>trans\_c\_6973 NM\_116964|Arabidopsis thaliana EXO (EXORDIUM) (EXO) mRNA, complete cds

TTTGTGTTAACCCGACCCCTTTTTCTTAACTAAAGTGGAACAAGCCGATGTAGCAGGATCATACAAAGCCGG  
AAGCAAGTATTTCCGTCCATTACCGCCGTTGGCATTATAGCTTCGCCTGTGACTGAATCCGTCAACAACTCCC  
CGGCGTAACCAGGGTAAGCCCCCTTTCCATAAACCCCAAGTACAAGCAGACGCCGCCT

>trans\_c\_6974 X04693|Spinach gene for plastocyanin

GTACGGAGTTCCCAACAATTTTACGGTGGCGTCGGGGGAGAAAATCGTGTTCAAGAACAACGCGGGATTCC  
CACACAACGTGGTATTCGATGAGGATGAAATTCCGAGCGGAGTTGATGCCGGTAAGATCTCGATGGATGAGG  
AGAACCTTTTGAATGCTCCCGCGAGACCCGCAGGACCTGAGAATGACTTTTTCTTCAA

>trans\_c\_6975 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

TCGGCCACTTTCACTGATTTTTACGGATGCGGGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCAAGTGGAAGTGCAG  
TGATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAAGTATTGGGGACTTTCTAGAGAATTTCATGT  
GCTTGGGAGTCCCTGATGATTAATGATTAAATAAACCAAGATTTTACCACAGTCATG

>trans\_c\_6976 XM\_003082221|Ostreococcus tauri polyubiquitin (ISS) (Ot12g01240) mRNA, complete cds

TCAAGACTCTTACCGGAAAGACTATCACCTCGAGGTGGAGTCCTCCGATACCATTGATAACGTCAAGGCCAA  
GATCCAGGACAAGGAAGGGATTCCCCGGATCAGCAACGTCTCATCTTCGCCGGTAAACAACTCGAGGATGG  
CCGTACCTTGCCGACTACAACATCCAGAAGGAGTCCACCTCCACCTTGTCTCCGT

>trans\_c\_6977 NM\_129647|Arabidopsis thaliana DPE2 (DISPROPORTIONATING ENZYME 2); 4-  
alpha-glucanotransferase/ heteroglycan binding (DPE2) mRNA, complete cds

ATGGAAAAGCAGGAGTTATTTCTTCAGAATTTGGGCAAAACCGGGACCTTCTCCTTGATGCTTCAAATTTCCA  
CCAAGATATATTTCACTTTCAGATGGCATGTTGCGAGATCTTCCTTGCGTGGTTCTGGTGTTCGAATCCCCAT  
GTTCTCTGTTAGATCAGACGATGATCTTGAGTTGGCGAGAAAGAACTGAACTTC

>trans\_c\_6978 AF078082|Phaseolus vulgaris receptor-like protein kinase homolog RK20-1 mRNA,  
complete cds

TGATGCTTAGTAGTATGTCCCTCAATCTTCCTGTACCATTAGAACCAGCATTCTTCGTGCATAGTAACGTTGATG  
AATCCACCACACAATCAAAGATAAATCAATGGTTGGAAATGAACGAGAAGGCTAGTGATCATTCTGAAAGCG  
TACCCCTCAATCTTTATCTAATGATGCTTCAGCCGAGTCTAGACCGAAGATCTAG

>trans\_c\_6979 X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

CTTGTGAGAGTTCTCTGGACTTTTTATCAATATGAGGTGATCGTAACACAGTATAGTGGACTCGTGATTCAGGC  
AATCCAATCTTCGTGTGTAAGGCGGAAGCCCCAAAAAATGGTTTGCAAAAATGGGTGATCAAAAGATCGA  
ATCACTATGCATATCTTGGTGGTCATGACTTTTGGTGGTCTTTCTTTTGGCTTACT

>trans\_c\_6980 AM260510|Platanus acerifolia partial mRNA for thiamin biosynthetic enzyme (thia  
gene)

GCGCTACCGGAGTCAAGCGCCTCAAGAGCATCGGCTTGATCGATAGTGTCGCGGAATGAAGGCCCTTGACA  
TGAACACTGCTGAGGATGCCATTGTTTCGATTCACTCGAGAGGTCGTTCTTGGCATGATTGTCACCGGCATGGA  
GGTTGCCAGAGCCGATGCAGCTCAACCTTACCTTAACCATGGATAAAGCGCGATGATC

>trans\_c\_6981 tpg|BK000325.1|TPA\_exp: Oryza sativa transposon Rim2-M47 transposase gene,  
complete cds

ACTAGTTCACAGCGTTGTAATGAGAAAATATGTGCAGGTATACGTGTATATACGGGTTCTCCGAGTTGGAGA  
TGGCTTCCCTGTCTACTCCATGCCTTTATCCTGATAGAGGACGCAATGGAGTATTTTATGCAAATGGATGTATT  
GGCGGGAAACTTTTATCAAATTCCTGAAGACACCATTTGTCGGTTCATTTCAGT

>trans\_c\_6982 AB271101|Chaenomeles sinensis DNA, microsatellite ICSC008

CTAAAAAATTAGGGTAAGAAAACCTGAATGGATAATATAACCTTAGAACTACACCATACACATCATAACGA  
CAACACACACGTCGCGTCGTCGTGAGTGGACAGTTAACCTTTCAAAACTCAAAAACTACAAACACATACCCC  
CAAATTACACGAACAAACACACATAAAACAACCTTAACCAGAAAAACCAAACCTCTAA

>trans\_c\_6983 AJ849379|Lycopersicon esculentum mRNA for chloroplast malate dehydrogenase  
(mdh gene)



GGAGAGGGTATTGCTGTATGTGATCTGCCAGGAGACACAATGCTTCCTGGAGAAATGTAAGGCTCAGCTCAT  
CAATCACATGCCTTCAAGCCTCATAACTTTATATTTGAGCTGCTTTACGTTACCTTCTTCTTTGAATTAATCCACA  
TATCATATGTGAATATTGCATACGGACCATAAATGGCAGCGCATTCGGGCGCCCG

>trans\_c\_6984 EF186643|Lotus corniculatus isolate DGGE gel band D 16S ribosomal RNA gene,  
partial sequence; chloroplast

CTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCCTTACAGAGAGCCATTGTAGCACGTGTGTCGCCCAGGG  
CATAAGGGGCATGATGACTTGACGTCATGGAGTGGAAGGAGGCCGAATAGTGCCGTCAGACGAGTCCCAA  
AACCACTCAACGGTTGGCACTAAACACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCA

>trans\_c\_6985 AF089724|Pisum sativum signal recognition particle 54 kDa subunit precursor (Ffc)  
mRNA, nuclear gene encoding chloroplast protein, partial cds

CATGGTTCCAACGCGCGAGAAAATCCTTGAGTATTTTCATCTTCTGGCTTGGTTGAGCAATTTGAAGTCGCT  
CTCTTCGAGGAATTTGTTCAAGGGAGATTTGGGGTTGGCTTCATGCCAAGACTGCTAACACTAGGAGAGAT  
ATGCGTGCGGTTGTACGAGCTGAAATGTTGCGCCAGTTGACAAGTGTAAAGTGAGGC

>trans\_c\_6986 EF463871|Tectaria zeylanica ATP synthase alpha chain (atpA) gene, partial  
sequence; chloroplast

GGCAGTGGCGTGCTTCTACAAATTTCTGAGGGAATTATTAGCGGCTCTTCCAAAAGGCGTGAATGCAAATAA  
AAAACATCTCCCGGATAAGCTTCGCGGCGCCGGCGTCTTCGTAAAAGAAGAGACATTTGTCGATAAGCTTGTG  
CTTGTGTTGGAGAGATCATCATAAATGATTAAAGTGTGTTGTTTTCTGTACATAAAA

>trans\_c\_6987 AY112530|Zea mays CL5251\_1 mRNA sequence

CGAACGATACCTATCCTCCGTCCTTTCCATTCAATCCGAGAAGAATGTGAAAACATGCAACATGAGCCATGAA  
GTACCATTTTATAATCACCTTCACAATTCATCACACCAATGCAGGAAGGAATATAAGTGGAATGGGAGACCAC  
CGAAGCTGGGCTGGGCCAAGTGATAGGTTATTGTTGGTTGGCTTTGGGGCGGGTT

>trans\_c\_6988 AF479223|Myrothamnus flabellifolius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAGAAGGGCTCCGGGGGCGGTCATGAGAATTTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGG  
AATTTTAACCCGATTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTTGATACTCGTCTCTGGGGTTTCCCCGTCTCTTAGGATCGA  
CTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCCCTCTTCGGCCTTCAA

>trans\_c\_6989 AF479223|Myrothamnus flabellifolius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCGGGGGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAGGAATTTTAACC  
CGATTCCCTTTCGAAGTTCGCGCTTGATACTCGTCTCTGGGGTTTCCCCGTCTCTTAGGATCGACTAACCCATG  
TGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATT

>trans\_c\_6990 NM\_001059989|Oryza sativa Japonica Group Os04g0543500 (Os04g0543500)  
mRNA, complete cds

ACGAAGAAGGCGGACATTGAGGACCTTTGTTTTGGAGGGGTCAAGACGAGCGAAGATAAGAGCACTGTCAG  
GAGAGGAGCGAAGCCACTCGACTGAGGTTAGGAAGGAGAGGAGCCGTAGAATTATAAGAGGTCTAGATGAC  
GGGTTAGTGGAATTTTCTTCGTTGCACTCCTTTTCATTGAATTTGAAGGATAAGGACTTT

>trans\_c\_6991 NM\_001053193|Oryza sativa Japonica Group Os02g0313700 (Os02g0313700)  
mRNA, complete cds

GAAGAACCTTTTTTCAGTAAATGCTGCAGATATGAATGGAATGGATTGCACCTCAACCAACTCTTCTGAAATAG  
AAGCCATTTTTCTCCTATTTTGAATAATGTTGACATCCAATGCCATCCTATTATCGAACATGATCCAGGGAGCA  
AACTTGATAGAGATATACCAGGAATGGAAATTGATGGGAAAGGGGGCGATGAGG

>trans\_c\_6992 AJ491856|Pisum sativum mRNA for GDA2 protein (gda2 gene)

TTTCAAAGAGCTCTCTTGATGCAAGGCCAAGGGAAAAGTTTGGTTTTCAGGAAGATAACAAATTTGAGAGTT  
TCAACTTTAACATGTTGAGCTTGGATTCAAAAATGACCGACCCTGTTAACAAAAGTTCATTGAGGAATGGAATT  
TACGGTGCGAATGCAGTTTATGGAAAAACAATACGAATGTTGCCGGATGCTCAC

>trans\_c\_6993 AY083613|Pisum sativum translation elongation factor (tufA) gene, complete cds;  
nuclear gene for chloroplast product

TGTATGTGTTGAAGAAGGAAGAGGGTGGTAGACATTCACCCTTTTTCGCTGGTTACAGACCACAATTCTATAT  
GAGGACGACTGATGTCACTGGCAAGGTGTCTTCGATTATGAACGACAAGGACGAGGAGTCGAAAATGGTTAT  
GCCAGGAGACCGAGTGAAAATGGTTGTGGAAGTATTATGCCTGTGGAGGTGTCCAC

>trans\_c\_6994 GQ998820|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C cytochrome b6/f complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds;  
chloroplast

GAGTGATTCAATGTAAGAAAAAATTTAGTGGATTCCGTTTTCAAGAGTTACAATTATCCATTGCAAGGAATTAA  
GTTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTTGATAATGTTCAAGTGCTTCTGGGTCGTC  
TCAACCCTTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTAA

>trans\_c\_6995 AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

TTTAAGTTTAAAGCCATAGTGCATATAGTAATAATGATTTTCGAGAAAAGAAATAAGGTAAGGGTTCATAGAAT  
TCAAAAAGAAGGTTTTAACTTAATCACTAATGTCATCGTTTCAATGTCTTATTAAATTTTAAATAAGAGTTTC  
AGTTTACTATTTGCTCTTCTATATTTGAAAGGCGTAACGATCTGGGCACTGTC

>trans\_c\_6996 AY196907|Quercus suber 23S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal  
transcribed spacer 2, 4.5S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 3, complete  
sequence; and 5S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast genes for chloroplast products

ATGGGTAGCCAACAGAAGAGCGGATAACTCGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCACCCCAAGATGAGTGC  
TCTCCTATCCCGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCACAGCCGAGACAGCGATGGGTTCTCTGCCCCTGCGGGG  
ATGGAGCGACTCTCAAACTCTTAAGTTCTTCCAGTGGGCCTCTACTCGGCAAA

>trans\_c\_6997 AY840212|Nymphaea gigantea internal transcribed spacer 2, partial sequence; 4.5S  
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 3, and 5S ribosomal RNA gene, complete sequence;  
and internal transcribed spacer 4, partial sequence; chloroplast

AGACTTTTGGATATTGAAAGACCAACTTACACCAACTTGAACCGATTGATATCCCAAGTCAAGAGAGAGGGGA  
AGGGGGAATATTCTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACCACACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTT  
GAGGCGGGACTACCCGCTGAGTTTAAGCATATCATATTCGCCTCCTTTTCTTGA

>trans\_c\_6998 GQ998725|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 acetyl-CoA carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

AAAGACAGGATTAAGTACTGAGGCTATTCAAACAGGCACAGGTAAATTAATGATATTCCAGTAGCAATTGGGGT  
TATGGATTTTCAGTTTATAGGGGGTAGTATGGGATCCGTAGTAGGAGAGAAAATCACCCGTTTGATCGAGTAT  
GCTACCAATCAATTTTACCTCTTATTTAGTGTGTGGAAGAAAGAGAGCATATGC

>trans\_c\_6999 NM\_129103|*Arabidopsis thaliana* SRO1 (SIMILAR TO RCD ONE 1); NAD<sup>+</sup> ADP-ribosyltransferase (SRO1) mRNA, complete cds

TTACAAAACCAACATATTACGTTATATGGAGAATGAATATGAACACCCACATCTATCCAGAATCTGTTGTTAGC  
TTTAAGGTTGCTCCCAATCCCAAAGTTGAAAGCCATACTAACGATGTTTTGGGGATCACTGCATCTCGTCAAGG  
GTCTCCCAACCAATACAGTTGGAGTCTTCTGTAGTGCCGTATTGGGTATCGT

>trans\_c\_7000 U21139|*Pisum sativum* chaperonin precursor mRNA, chloroplast gene encoding chloroplast protein, complete cds

TTTGAAGATAGCCGCACTTAAAGCTCCTGGGTTTGGAGAGCGCAAGAGCCAGTACCTTGACGACATTGCTATT  
CTCACTGGAGGCACGGTTATCAGAGAGGAGGTAGGGCTTTCCTTAGACAAAGCTGGAAAGGAGGTACTTGG  
AAATGCATCCAAGGTAGTGCTTACCAAAGATACCACAACCATCGTTGGTGATGGTAG

>trans\_c\_7001 AL161532|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 32

ACGATGAGGATGTTATTGTTAGTGTTGAAAATCCCTGTGCATGTGCTTAGAATCAACAAACAGATAAGATCAG  
AATGAAACGATTGCTATATCTGCTCCTTTCAATTACGAATAGGTTTCTCCATCGTGTTTCGTTTCTTGATAATC  
GATTGGCTCTGTTGTTCAATTCTTGCTATTTTATAAATTATACCTTTGTTTTG

>trans\_c\_7002 EU755023|*Arachis hypogaea* cultivar Yueyou 7 NAC-like transcription factor (NAC2) mRNA, complete cds

TCGCCTCACTGATACTTCCCGCAAGACCGGTAGTACTAAGCTGGATGATTGGGTTTTATGCCGAATATACAAG  
AAGAATTCAAGTGCGCAAAAGCTGCCACCAATGACGAGTAGCATTTTCGAGTATGGAATGCAGCGGGGGGCTCA  
TCGTCCACGTGTTCTTCTCGCACCTCGACGACGTTCTCGAGTCGTTGCCCGAGGG

>trans\_c\_7003 NM\_001072062|*Oryza sativa* Japonica Group Os11g0104900 (Os11g0104900) mRNA, partial cds

CCAGATATTAAACGAGTCATCGTGAACACACATGCTATCGAACCACAGTCACTTGTAAGTTTTTTGGTACCTT  
GTCTCGTGAGTGGGCTTTGGAGTGTATGAAGGACCTTTTGCTGTGAATCTCAGAGGCAACCTTCAGATTATT  
GTGCAGGTTGCAAAGGAATATTGTGAACAGTTGGGGGTTGAAAACAACCACGGG

>trans\_c\_7004 XM\_002327718|*Populus trichocarpa* calcium dependent protein kinase 18 (CPK18), mRNA

AGAATAAGATGATTCTTCCCATTTGCTGTGAGGATGTTAAGAGAGAGGTCAAGATATTGCAAGAGCTTACCG  
GCCATGAGAATGTAGTTCAGTTCCATAATGCATTTGAGGATGACTCATATGTTTATATTGTGATGGAGTTATGT  
GAAGGCGGTGAATTGTTGGATCGGATATTGTCCACTGCCTCCCCAGGTCAGAAAT

>trans\_c\_7005 AM711640|*Cuscuta reflexa* complete chloroplast genome

GTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTTTCATCCGATTATTACAGAGATG  
AACCTAAGCCGGAATATGAACCATAAAAGAAAATACCAACTAAACCGATCACAAGAATACCAGTTACAGTACC  
GATTATCCAAAAAGCAACCCGTCCATTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGC

>trans\_c\_7006 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

ATCTAAGGGTGACAGGGACAGATGATAGACTGAAGTGGGCTTTGACTCGGCCAGCGGGCGAGGCGGGCTC  
CGGCTCCGCGCACCTGCTGACACCTTCTCAGCACTTGAGAGTGTGCGCTTTCGTTTTCGAGACATAGTAAGG  
ATTGACAGACTGAGAGCTCTTCTTGATCTCGCAAACAACAACATGCAATTACTCTT

>trans\_c\_7007 GQ998459|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 cytochrome b6  
protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

CACTCATCAGGCCCCGATCGACACCCATAAATAATGCGATGCATAAACCCACAAAGACAAACTCGGCATGCTC  
TGCTTTAAGAGTATATGCCAAGAGTCTCCGGGGTCCCCTTGGTTTACCTATCTCATATTTACATACTTGTGGAT  
AAGAACGTCTTGAAATTCAGGCGATTGCAGATGATATAACTAGTAAATACGTT

>trans\_c\_7008 AJ316582|Atropa belladonna complete chloroplast genome, strain Ab5p(kan)

GGATCGGAGTAATGATTAACAGGGACAGTCGGGGGCATTTCGTATTTACAGAAACCCATTAGAAAGAAGGGAC  
AGTAGAAATCATACAGAAATGCTAGACTCGAAGGCCCTGAAAATGCAATGAGGTGTTTCGAAAATGGTTGAAG  
TTAGTTGAATAGGAGGATCACTATGACTATAGCCGGATTGGTATGGTAACCTAGTAGC

>trans\_c\_7009 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

CCCCTTTTTTTTGTAAATTGATTCAATTGTGAAATAAATAAAATATCACGATGTGTGTATCTAGGGAATAGTTGC  
TTCAAAGTGAATTACCCCTAGATACACATATTTAATGAAATTTTTGATTTATTTTGAGTATACGGATTCTGTAA  
AGATTCAAACCTTCATTTTCGTCTTTTTTTTTTAAAAAGCCCCCCCCACACAT

>trans\_c\_7010 DQ790244|Dulacia candida acetyl co-A carboxylase (accD) gene, partial cds;  
chloroplast

GGACGCTTTCGTAAACGGTTCCTACAAAAGTAATTAGTTCTTGTAGGGACCAAAAATCTAGGAGTAATTGTGA  
CTACCACTTAAAATGTAACATCAATACAGATTTGAGTCCAAAGATAACTGTCAATGCAACTCGGGGGGAAGC  
CTAAAAGTTGCTGAGAGCCGTTGCCTATAGAGCCGAGAGCGTAGCTACTTCTTGC

>trans\_c\_7011 EU372997|Gossypium hirsutum gland development related protein 4-like mRNA,  
complete sequence

GTGTGAAGTTTGTGAACGGAGTCTTCTCGATTCAATTCGATTCTGTTCTTGGATGTAAGATTGTTGGAACAT  
CGAAGAATTATGAGAAGAAACGGAGAGTGATGGGGTCGGATTGAGAGGATTCGTCGTATAGTAGTAATAGC  
AGTCAAGGGAGAATAATGAAGAACAGCACGCCTCCACTCTGTGTTTCAGAGTTTGA

>trans\_c\_7012 AY353089|Populus x canescens adenosine 5' phosphosulfate reductase mRNA,  
complete cds

CACCACAACATGTCAGTACAGAACAACAATCCATGGTTCTTTTCTACCCTCCAATCTAGCCAAATTCTCTATTCC  
ACCCCTAGTCAAGCTCACCAAATTCTGAGACTCAAAAATATCAGCATCTGTAGAAATTCCATTGCAATTCATT  
AAGCTGGGCTGGATCTTCTGCTTAAGATTTCCTTTGTAGGTTACACGCT

>trans\_c\_7013 AB554221|Glycine max GmGla mRNA for GIGANTEA, complete cds, cultivar: Moshidou Gong 503

TCACCTAGAGGGACCCGTGGGACAAACGGGATTGTACCCATGACACAACACATTTAGGGATAGACTGCTGTC  
CGTTCTCAAAGTAGACATGGTCTCGAGTTGTGTTAGCTTTCGGCCTGCTGAAGACACACGAGAATATTGAGA  
AACTGGTGCAGACACTATGTGCACTTCTAATGGCTCAGCCCTATTGACAATGGAT

>trans\_c\_7014 FJ605469|Pimelea ammodaridis ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

TAGATCCTTGAGGGTTAAAGATTTACCCGCGCTAAAGGGTCATCATTTCTTCGCATGTACCTGCAGTAGCATTG  
AAGTAATGTCCTTTGATTTACCTGTTTCAGCCTGTGATTTAAAAATAGCTTCCGCACAAAATAGGAAACGGTC  
TCTCCAACGCATAAATGGTTGGGAATTCACGTTTTTCATCATCTTTGGTAAAA

>trans\_c\_7015 FM992548|Zygnematales SVCK 335 chloroplast partial 23S rRNA gene, strain SVCK 335

AGCGTCAGGCATCTGTACTGTGTCAGTACCTTCTCCCGAAGTTACGGTACCATTTGCCTAGTTCCTTCAGCAG  
AGTTCTCTCAAGCGCTTTGGTCTACTCGACCTGACCACCTGTGTCGGTTTCGGGTACGATTCCAGTGTAAGTGA  
AGCTTAGAGACTTTTCCTGGAAGCATGGTATCAGCCACTTCGCTAGTAAACT

>trans\_c\_7016 X65974|N.tabacum mRNA for glutamate-1-semialdehyde aminotransferase

CGATAGTTATCGGTTGTCCACCAACAGATTTGAAGGCACGAACAGGGGAATTCCTCCACCAGGCATTAGCTC  
CTTGGCAGCATTGAAAGCTTCTTCAGATTTCTTGAGAGTGAAGTTCTTCTTCATCGAGAGTGACAGCCATTT  
TCACACGATGAAAACGCGAGGATCGTGAAGTAGTTGTGTGGGAGAGCTTTGTG

>trans\_c\_7017 AJ429634|Dipentodon sinicus chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene (partial) and tRNA-Met gene

AGGTCCTTAATCCTCTTTTCCCTTGGAACGTGTCCATTACAGGGTACACGTTTGGAGATGTTCTACCCGTGTAT  
ATATTAATGTTTTTCAGAGAAGTACATCATGTAATCAAAAAAGTTGATCTTATTGAGAAATCGATGTCTTACTCT  
ATTACTTTTAGGGAACAAACAAGAGAACAGTAGCCACTGTTTCAGGGATT

>trans\_c\_7018 AF479224|Saxifraga mertensiana 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TATGAATTATGTGAGATATATTCAATTTTGACAATACAAGAAAGAGACCCCCTCCCTCTAAGCCCCCCCCTCCCG  
CCCATGCCCCCTGCCCCGAAGTCCGCGCCACGCCCCGGCACTTTGTTTTGTCTCTTAGGATCGACTAACCCAT  
GTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCT

>trans\_c\_7019 Y11607|M.sativa mRNA for protein phosphatase 2C

GTTTTGATTCTCTTGAGTTCTTGAATTTGGGTTTTTCTTTACAAGCTTTTTAATATGTCTGTCTCTGTTGCGGTT  
TCCAATTCCCCGGGATTTTCCCCTTCATCTCCATGTTCTGCAACAAGACCTCGATCATTTCTCCGGCGCCGGAG  
GCGATCACGCTCACTTTAACTCCTTTGAATGCATCTCAGGCTTCTTCT

>trans\_c\_7020 EU259376|Viola baoshanensis DnaJ mRNA, complete cds

GAGATTCTTGGAGTCTCAAAGAATGCGTCGCAAGACGATCTAATCTTCGCCTATAGAAAGGCCGCTATCAAGA  
ACCATCCTGATAAAGGTGGCGACCCCGAAAAATTCAAGGAGTTAGCACAAGCCTACGAGGTGCTGAGTGATC  
CAGAGAAACGTGAGATATATGACCAATATGGCGAGGATGCCCTCAAGGAAAGAAT

>trans\_c\_7021 X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

GCAAGTGGTGAGGTGAATATTCTGTACTACCCCTTGTTGGTTTTAGGGGACCCACAAGTTTTCCAAAACCGA  
ACGTGAAACTTTGGTTTCATTTCGGCTCCTTTATGGAAAAATCATCTCCTTGAAAGAGAGATGTCCTGGACCACT  
AGACGATGGGGGCAAGCTATTGCCTACCAACTAGCTAATCAGACGGTCCCCC

>trans\_c\_7022 FJ895886|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf2 (ycf2) gene, partial cds;  
chloroplast

GTTCTATAAGGTTTATCACTAAAATACCCCTAGAGGGGGGGAGGGCTAATAAGCGGAGCGAAAAGGGTTTT  
CCATGAGATGGGAAATGAAAACTATTAGCCCCACACGAGGTTTGTGAATAAGTGATTGTCTGATAATGAGCA  
AGGAATGTCCGTCTTCTGCTAAACAGGATGTATTGAACTCATAATTCATTAGAT

>trans\_c\_7023 XM\_002298674|Populus trichocarpa actin 1 (ACT1), mRNA

AAAAGTTCCAAGTTGCCAACAAGGAAAGGAAATACAGTGTCTGGATTGGAGGATCCATCCTTGCATCGCTCA  
GTACCTTCAGCAGATGTGGATCTCAAAGGGTGAATATGACGAATCTGGCCCATCGATCGTCCACAGGAAGT  
GCTTCTAAGCTCTATCAATTTCTTTGATGATGAAGAAGATGATGAGTCGCCACTC

>trans\_c\_7024 AJ429696|Schlegelia parviflora chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene  
(partial) and tRNA-Met gene

CAACAGTGTGAGAAAAAATCTACACAAGGGCTATAGCTCAGTTGGTAGAGCACCTCGTTTACACGCGCGCCG  
GCACCCCTGAGAGGACGTGCTGCACGGTGCCCCCGTTGATCTTATTGAGAAATCGATGTCTTACTCTATTAC  
TTTTAGGGAACAAAACAAGAGAACAGTAGCCACTGTTTCAGGGATGTTGAGAG

>trans\_c\_7025 XM\_002298396|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

GATGACGAGGCTGCTGAGCTTGATGATGATGATGATGATGCAATTGATTTAAATTACATTTCTGAAAGTCAAA  
AACAGAAGCAGAAGATTGCAGAACGAATGATGAGCTGGCAGATGCCATATGGACATGCACGAGATCTTCCCC  
CACCGAACTACGACAAAGAAGTTTCTTTAAATCACATACCCTTGCTACCAATG

>trans\_c\_7026 EU017018|Musa acuminata RNA polymerase beta subunit (rpoC1) gene, partial cds;  
chloroplast

AATCAGAAAATTTTTCTATGATCGATCGGTATAAACATCAACAACTCCGAATTGGATTAGTTTCTCCTCAACA  
GGCGGACATCCAAATTGGCGGGGTTTCGTTGAATGGCGAGATAGTTGGAGAGGTAACAAAACCCTATACTTT  
TCATTACAAAACCAATAAACCTGAAAAAGATGGAAAAATTTGTGAAAGAATTT

>trans\_c\_7027 NM\_001053952|Oryza sativa Japonica Group Os02g0613000 (Os02g0613000)  
mRNA, complete cds

TAGACAACTTCATGAAGAGATACTTATACTAGAGTTTTACATTATGACTTCAAATCACAAGGAAGCATATCAG  
TCAAAGACTTTGCACTATCAATAGTTGCTTCAGCAGATATAAATCACATAGACAACTACTGGACAGAGTTGA  
AGCATTAAACAAAGAACCCCATTTCAAAAACATCAGAATCACATATGAAGAA

>trans\_c\_7028 NM\_129687|Arabidopsis thaliana GLU2 (GLUTAMATE SYNTHASE 2); glutamate synthase (ferredoxin) (GLU2) mRNA, complete cds

AACTCTTAGAGTTTGCTTCTCTTTCAATCAATTCCTACAAATGTAAAGTTCTCGTTCAATGTCGTCCACATTCTC  
TTCCTTAACACTTTGGACGAATACCTGCTCAATGTTAGGCATGGTCTTCTTTGCATTTATACCAACCACAGAAGC  
TTTACAGGAACGGGTCTCCAACCAAGCACCTCAAGACCTTCTTGTCT

>trans\_c\_7029 AF479234|Thymelaea hirsuta 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AAGAAGGGCTCCGGGGGCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTGAGCCGCCACGTCCCGGTTTCAG  
GAATTTTAACCCGATTCCCTTTGGAAGTTCGCGCTCAGCGTCTACTCTCAAACCCCTTTTGTCTCTTAGGATCG  
ACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCCCTCTTCGGCCTT

>trans\_c\_7030 NM\_120068|Arabidopsis thaliana VHA-A3 (VACUOLAR PROTON ATPASE A3); ATPase (VHA-A3) mRNA, complete cds

GATGATGTCACTATTTTCAATATACACTGGTCTGATCTATAACGAGTTCTTTTCAGTTCCATTTGGACTGTTTGG  
TCGCTCAGCCTATGAATGTCGTAGTCCTGATTGCAGTGATTCTACCACTATGGGGTTGATAAAGTGGGTTCT  
ACATATCCATTTGGCCTGGATCCTGTATGGCACGGCACCCGAGGTGAAAAA

>trans\_c\_7031 L16797|Petunia hybrida glutamate decarboxylase (gad) mRNA, complete cds

GTGTCGTTCTCCACTCTTCTGATAACACACAACATTGTTCTTCTGCGTCTCTTCTCCAGCCACCGTTGTCTTCATA  
TCAGCCTTCGATGGGAGGCTATCGAGTTCGTGCAATGTTTTCTCAATATCATTACAAGACGCTCAGCAAGCGT  
GCGAGAAAAATCTTCTCGGATCACGACTCTAAGGACAGTTATGTGTTGT

>trans\_c\_7032 DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

CATTTTCCCCTACGATTAGTATCTTCCTTAAAAGAAGAAGAAATCGCAAATCTTATAATTTACGATCAAGTCAT  
TCAATATTTCTTTTTAGAGGATAAATTCCCACATTTAAATTATGTGTCTCTACTATTAATACCCTATCCCCTCC  
ATCTGGAAATTTTAGGGACCCGAAGAGCGAAAGTTTGAGGGAGCAAAG

>trans\_c\_7033 tpg|BK005040.1||TPA\_inf: Oryza sativa (japonica cultivar-group) WRKY transcription factor 37 (WRKY37) gene, complete cds

GAACCTGTAGCAGAAAGCCAGCCAGAAGAATATGGTCGAGCTACTTCCGTCCCTCATCTGGAGCTTTTTCTTTC  
TCCATATTCACCTGTGTCCTTATTCAATGAGCTTCGATTATCTTTGACTTTATTCATTGATTGATCGATGAAGA  
AATGCCTAATTTTTTCATATGGATTTTCGATCATTCTTTGATAAGGAATT

>trans\_c\_7034 EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds; chloroplast

AATCGATGTTAGTTACTATGGCGAAATGCTTTACGAAGGAGATACTTTAGTTACATTTATATATGAAAAATCAC  
GATCTGGTGATATAACGCAGGGTCTTCCAAAAGTCGAACAAGTATTAGAAGTGCGTTTCGATTGATTCAATATC  
GATGAGCCTAGAACTCTCCGGTCTTTGGTTCCATCTATGCGCGTTAGTTTT

>trans\_c\_7035 AY335818|Gossypium hirsutum beta-D-glucosidase mRNA, complete cds

GATTGACCCACGAGTTTCGCTCTACACACCGCAATACACGGAGCAAAAACGTAAGGAATTCCAGTTGCTCTGA  
CTTCAAGGGCTGTAGCTTCTCCGATCCGCCTAAGAAGTTCCGGATCCCTGGTAACACCAAGACCAACATTATG  
AGGAAAGATAGTGGCATTGTACACATTATTGTGACCATGAACAGCATCAATCC

>trans\_c\_7036 GQ998726|*Staphylea colchica* voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase  
CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

CCGAATTAGAAGCCTTTGCGCAATTCGCTTCTGATCTCGATAAAGCTACTCAGAATCAATTGGCAAGAGGTCA  
ACGATTACGTGAGTTGCTCAAACAATCCCAATCAGCACCTCTCACGGTAGACGAACAGATAATGACTGTTTAT  
ACCGGACAGCCGTTGGCGAGGTTCGGACGGCTCCCGGTTACAGTAACCTTTA

>trans\_c\_7037 GQ916665|*Musa acuminata* AAA Group 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL)  
gene, partial sequence; chloroplast

ATGGATAGATACCCAGGTTTCGGGTCCATAAGCAGTGACAATTGCCCCATCGTCATCACGTTGCGTAGGGCGA  
CGCTCGAAAGCCCCAATTTACCCGATAACAAGCAAATTTCTGTTTGAAAAGAAAACCAACAAGGGGTAGTACA  
GGAATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTTTCGGCCTGATCTTAGGCC

>trans\_c\_7038 AB207917|*Artocarpus heterophyllus* chloroplast rbcL, accD genes for ribulose-1,5-  
bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit, acetyl-CoA carboxylase beta subunit, partial cds

CGGACCGGGTCGGGTCGAGCTGTGCTGGATCCGCAATTAAGCCTATGGATCCTTAGGATTGGTGTAGTCATTT  
AATATTTAATATATTATATCCCGTAGCGTCGTTTCAGATCCGGGATCGAGCCAAGTATCACAACCTTCTTCTACCC  
CATCCTGTATATTGTCCTTTTGTCTGTCTTGGAATACAAACCCCAAG

>trans\_c\_7039 Z14078|*T.aestivum* mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

AGGGGAGACAGATTCCCACGCGTTACGCACCCGTTCCGCACTTTGTTCTCAACTCTTCCACCTTGAAAGGCGA  
GACAAAGCACACTCGTCTCCAGACTTCTGCCTAGCTCCCCGAAAACAACGTTGACTTGCATGTGTTAAGCATA  
TAGCTAGCGTTTCCTTCTGAGCCAGGATCAAACCTCAGATTTTTCAGACCTT

>trans\_c\_7040 AJ224933|*Lycopersicon esculentum* cv. Monemaker mRNA for histone H1

AGATCTATTGTTGAAGATTTATGTTTTATGAAGTTTTATAGATGGTAAGAATCTCTGTTGCTTTCCTATATTGTA  
TTTGAACTTATGCTGTATGTTGCGATTGGTTGTTTCTTAGAGCGGTATCCACCACCCTCATATCTAATTTGCTG  
ACCTAGTTGAGAATTATTGATTATTTTCTTGTCTTTTGTGTTCTGA

>trans\_c\_7041 FJ895899|*Cynomorium songaricum* voucher JLI 6001 ribosomal protein L2 (rpl2)  
gene, partial cds; chloroplast

CTCCCCTTTAGCCGGTGTAATTTTATTACCCTCTGGGGAGGTCCGTTTGATATCCAAAAATTGCTCAGCAACAG  
TCGGACAAGTGGGGAATGCTGGGGTAAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGCTAGGT  
AAGCGTCTCTGTAGTAAGAGGAGTAGTTATGAACCTGTAGACCGCAAAACGTT

>trans\_c\_7042 Novel Gene

ACCCCACTCGTCTGTAGAGAAGTGATCTATGATGTTATAATTGCGTTGTAACAGCAATGGAAACCTGCTGTGA  
TGA CT CAGCATCTGAGCAGTGGGTACATACCATCAGAGCTTGATCTATGATGTTAAGATCTATGATGTTAATTA  
ACGCAAACGGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCAGTCTGATGCTCAGATGT



>trans\_c\_7043 GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

TGTCTACCCGGCACGGCATGTCCCTCTCTCTAGGAGGTGAGGTACCGTTGTAGAGATCTTCCAGCGAGACCTT  
GAGGGGATGGATAACATCCTCTCCCCTTCTCTGCCTTCGGCCTCTGCTGCTTCCACCACCACCAAACGGGCTTC  
CACCAAAGAAAGACTGGAATATGTCAAATGGATCGTGGCCACCGCCACCTC

>trans\_c\_7044 EU165708|Eucalyptus grandis cellulose synthase (CesA1) mRNA, complete cds

CCCTTGCTACCAATGGGCAGGAGGTTTCTGGAGAACTGTCAGCTGCATCACCCGAGCATCATTCGATGGCAT  
CTCCTGGACATCCTCGTGGGAAGCCGATATATTCTTCTTATGCAGCTGACATTAACCAATCACCTAATGTG  
CAAGGTGTGGACCCTACAAAAGAGTATAGTTCATCGGGGCGCTTGCCACAA

>trans\_c\_7045 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

AATTCGGGTGGGGTTCTACTCACGAGAGGATATTCGACTTCCCCAGAGCCTCCGGTAGCACAGCCGAGACA  
GCGATGGGTCTCTGCCCCTGCGGGGATGGAGCGACAGAAGTTTTGAGAATTCAAGAGAAGGTCACGGCGA  
GATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCAAGTGGAAGTGCACACGCACGCATG

>trans\_c\_7046 AF102822|Arabidopsis thaliana actin depolymerizing factor 4 (ADF4) mRNA, complete cds

TAAAGATTGTTCTTCTCTTCTTCTCCCTAGATCTTCTGATTCACTTCCCCTTCTCAAGTTTCAGCCATGGCTAA  
CGCGGCATCGGGTATGGCTGTTTCATGATGACTGTAAGCTTAATAAGAACCTCGACTTCTGGTTCAGAACCTAC  
AGATTCATTGTATATAAGATTGAAGAGAAGCAAAAAGCAAGTCACTGTGG

>trans\_c\_7047 HQ163776|Morus alba actin 1 (ACT1) mRNA, complete cds

GAGTTATCTCCTTGACAGAGGTGCAGTCTCAAGTTCTTGTTCTAGTCAAGAGCAACATATGCAAGCTTCTCTT  
TCATGTCACGGACAATTTCCCGTTCGGCAGTGGTTGTGAACATGTACCCTCTCTCAGTGAGAATCTTCATCAAA  
GCATCAGTTAGATCACGACCAGCAAGGTCGAGACGGAGGATAGCATGGGG

>trans\_c\_7048 M58635|Spinacia oleracea lipid transfer protein mRNA, complete cds

GACAAAGTAGTACTGATTGTGGTTTTAGTCGCGGGTAAGAAATACTGACACCACACTTGCCGGGAAGGCCAG  
CGGCAGCTTTATAGTTGATGCCGGAGATGGATTTTGCAGCGTTCTTCAAGCAGTTGCAAGCGGTGCGGCGATC  
AACAGTGGTGCGGCTTGCCCGTTGAGCCTCCTCATCCCACTACAACATCCT

>trans\_c\_7049 GQ487332|Cucumis sativus metallothionein-like protein type 3 (MTP-3) mRNA, complete cds

GACACTACAGATAATCACCGAGCCTCTCTCCGAGACAGTGCCAGATCGTTACGCCTTTCGTGCGGGTCGGAA  
CTTACCCGACAATATCCATTAAGTCCATGGACACAAGTGACCAACATTACATGACTGTGAATGAAAAACAGAA  
ATAGACATTATTATAACACACCTCTAGATAAGAGGTGAGAACCCAGGTG

>trans\_c\_7050 DQ677335|Capsicum chinense germin-like protein mRNA, partial cds

AGGGTATTCCTGTAAGATTGCTAGTGTCGTGACTGCAGACGACTTTGTATATACAGGTTTACGTGCTGCTGGA  
AACATATCGAGTCTAATCAAAGCTGCAGTCACTCCAGCATTTGTAGAGCAGTATCCAGGAGTGAATGGCCTCG  
GTCTCTCTGCTGCTCGGTTAGACTTGGCACCCGGTGTGTGGAGCAACTCTT

>trans\_c\_7051 FJ014471|Camellia sinensis senescence-related protein mRNA, complete cds

AACCTTGATCCCCAATACGAGCGAGTACAGCGACGACGTTGTTACCTTGGATGAGACCCACGATGGAGAACTC  
ACCGGAAGCGAGTTCGATACTGTTCTGTCTTTTCGATTAAATGGAGTATGGCGCCGGGAATCTGTAGGAGAACT  
TGTTCCGAGGAATCGGGGTGTTTGTGACCGGAAACAGGGGGGTCTTCGTCGG

>trans\_c\_7052 AY928808|Artemisia desertorum ring zinc finger protein (ZFP1) mRNA, complete cds

TATGGTCACTCAGATTGCTTAGAAGCCATAATTGCTGCTGCCATTACAGCCTCTGTTGCAGCCACTTGGGGATT  
TATTAGATATGTGAACATTTCGAGATGGAGGAGGTGCCACTCCGTTGCATATAGCAGCACGTCGAAAACAGCC  
ACAGTGCATTTCAGATCCTTTTGGCAAATTTCTAGAGCTTTTGTAGGGGGT

>trans\_c\_7053 EU112625|Helianthus annuus genotype v94 glyceraldehyde-3-phosphate  
dehydrogenase (GAPDH) gene, partial cds

GGGCAAGAGCTGCTGCACTCAACATTGTTCTACATCCACAGGAGCAGCCAAAGCTGTTGCCTTAGTCCTCCCT  
TCTCTTAAAGGAAAGCTCAATGGGATTGCACTTCGTGTGCCACTCCAAATGTTTCTGTTGTCGACCTTGTTGT  
CCAGGTTTCTAAGAAGACATTCATCAGAGAGACTCCGTAGTAATTCCGA

>trans\_c\_7054 NM\_112322|Arabidopsis thaliana CYP72A7; electron carrier/ heme binding / iron  
ion binding / monooxygenase/ oxygen binding (CYP72A7) mRNA, complete cds

CAGAACAAGTGAAGATTGTTTTCTCTCAAATAAATGATATTCGTAAGACATCTTCGTTTCCCCTTAGACGAAGA  
ATGGGCAGTGGACTTGTAAGTCTGGAGGGATCTAAATGGGCTAAACATAGAAAAATCATCAACCCTGCTTTTC  
ACATGGAGAAGTTAAAGGAAATGTTTCCGGACGGAGACCCTCTTTGTAGA

>trans\_c\_7055 XM\_002866197|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 23,  
mRNA

AGTGTTTGACATATACAGAGCCTCTGGCTGCATATCTTCAAAGCGGGAAGCATCAAAATTCTTGTCATGTAGCT  
GGCTTCTGTGCTCTATGTCCATCCAGAAGCATGTCAGCCGAGCTTTGCAGTCAAGTGGGAGAATATTAGCAC  
CAAAGGATCTTGTTTCTAATTTGCGGTGTATATCTCGAAACTTCAGAAAT

>trans\_c\_7056 GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal  
RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

GCCGACCTTGACCCCTGTTATTTTGGATCATATCTAGTATTCAGAGTTTGCCTCCCTTCTAATCTGCAACACTA  
AACGACGACAATCTAGCACGAGCAATGGGGCTATCACCGTCATGGAGATAATAAGAGTAGCCCGGGGTGCAT  
CGTGCATAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGGTTGAATTACTATTGCG

>trans\_c\_7057 AY989895|Lupinus albus plasma membrane H+ ATPase (LHA2) mRNA, complete cds

CAACTCCACCATTAGTTTCATTGAAGAGAACAAATGCTGGTAATGCAGCTGCTGCTCTTATGGCTGGTCTTGAC  
CTAAACCAAGGTTCTGAGGGATGGAAAATGGTGTGAACAAGATGCATCAATTCTAGTACCAGGAGATGTGA  
TCAGTGTGAAATTGGGAGATATCATCCAGCAGATGCTCGTCTTCTCGAGG

>trans\_c\_7058 DQ069555|Nuphar advena RNA polymerase beta chain (rpoB) gene, partial cds; chloroplast

AATTGAGTTATTTGGGCCCAGGAGGATTGACAGGGCGAACTGCTAGTTTTCGGATACGAGATATCCATCCTAG  
TCATTATGGACGCATTTGCCCAATTGACACGTCTGAAGGAATTAATGTTGGACTTATTGGATCATTAGCAATTC  
ATGCAAGGATTGGTGATTGGGGATCTCTCGAAACTCCCTTTTATGAAATT

>trans\_c\_7059 AF515795|Pisum sativum Drm3 mRNA, complete cds

CGGCGGAGGATGGTGTGAAAGTTTCGAGGAGAATTATGATCGTAAAGCCACCTGGGGGTTACCAGTATGGTT  
CTTACCGCCGGTGTCTCCTGCCGCTCTTCCACTCCGCCGTCTTCTCCTTTTCCGGTAGAGAATCATTAGAT  
TTCGAAGAAGATCGACATCGGATGCTGTCGGGAAGACAACAAGTGAAGA

>trans\_c\_7060 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

ACTTCCCATGAGTAGTCCGGGCGTATAGTGCGGTATTGTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACT  
AAAGCAAGTGTTGGATTCAAAGCTGGTGTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCCTGAATATGAAACCAA  
AGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCGGGAGTTC

>trans\_c\_7061 FJ939389|Bruguiera gymnorhiza strain ZJ072 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTAAAGGCGATAAATCTTTCCCCGAAGGGCACATTGCGCATTACCACCCGTTTCCAGGAGCTATTCCGAAACT  
AAAGGCACGTTCCACGTGTTACTACCCGTCCGCCACTAACCCCGAAGGGTCCGTTGACTTGATGTGTGTTAG  
GCCTGCCGCCAGCGTTCAATCTGAGCCATGATCAAACCTTTCAATTTA

>trans\_c\_7062 NM\_116268|Arabidopsis thaliana PIP1;4 (PLASMA MEMBRANE INTRINSIC PROTEIN 1;4); water channel (PIP1;4) mRNA, complete cds

AGCTGCCATTATTTACAACAACGAGAAAGCATGGGATGATCACTGGATATTCTGGGTGGGACCTTTCATCGGA  
GCTGCTTTGGCTGCTATTTACCACCAAATCATCATCAGAGCCATTCCATTCAAGGCCAGAGCTTGAAGATCAGA  
AGAACAGTTTCAAATTTCTAATATCATTATTATCATTTCATCCATC

>trans\_c\_7063 X60216|G.max mRNA for beta-tubulin, partial cds

GGAGCCAAGTTCTGGGAGGTCATTTGCGATGAACATGGCATTGATCACACTGGAAAGTACAGCGGTGACTCT  
GAGCTTCAGCTTGAACGGATTAATGTCTATTACAACAGGAAAAGTGGCGGTAGGTATGTTCTCGTGCTGTTC  
TTATGGATCTTGAGCCTGGTACTATGGATAGTATCAGTAGACATTACGCA

>trans\_c\_7064 EF207487|Crassula aff. perforata Fishbein 3778 photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB) gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes, complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

TATGTAACCCGTATAATCGCGGGCCTATTCCATCTTAGTGTCGTCGCCCAACGTCTATACAAAGGATTACG  
TATGGGAAATATTGAAACCGTCCTTTCCAGTAGTATCGCTGCTGTATTTTTGCAGCTTTTAGGGCGATCGCTA  
CGCTGTAAGGGCCTTCCCCCTTTAAAAATAAATTTAATATCATGTGGG

>trans\_c\_7065 DQ008642|Thottea tomentosa 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CATGTGAACGGCACTTGCACATGGGTTAGTCGATCCTAAGAGACAAAAGGGTTTTGAGGACAGCGCGAACT  
TCGAAAGCCCCGAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACGTAAGGG  
ATTCCGGAGACGTCGGCGGGGGCCTCGGGAAGAGTTATCTTTCTGTTTAAACA

>trans\_c\_7066 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GGCCATCGCTCAACGGGATAAAAGGTAAGTCCGGGGATAACAGGCTGATACCGCCCAAGAGTTCATATCGACG  
GCGGTGTTTGGCACCTCGATGTCGGCTCATCATCTCTGGGGCTGAAGTAGGTCCCAAGGGTATGGCTGTTCC  
CCATTTAAAGTGGTACGCGAGCTGGGTTGCTTTCATACAGTCAACGGTAA

>trans\_c\_7067 AL161510|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 22

TTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATAACGCTGTAAAGTGAAGTCTGCTAGCTGCACTTTTGTGGGCT  
AGGGTAAGGCTGGAGCTATACACTTTAGCAGAACGCGGTATACATGACTCTAACAAGCCCTCTGTACCAGGTT  
CGGGCGACTGCTTCCAAAATGCACTACTAAGAGGCACACTGTGGACACCG

>trans\_c\_7068 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

ACTTCCCATGAGTAGTCCGGGCGTATAGTGCCAGTTGTAGGGAGGGACTTATGTCACCACAAACAGAGACT  
AAAGCAAGTGTTGGATTCAAAGCTGGTGTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCTGAATATGAAACCAA  
AGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAAGTCTCAACCGGGAGTTC

>trans\_c\_7069 X97604|Z. diploperennis DNA for Grande1-4 retrotransposon

AAAGTATGAAAGGTTGATCCATGTGTTCCACTTCCTTATTATTTTTTGAAGTGGCTATTTCCACTGAAAGGGACC  
CATTATATGAACTACGAAACAAGATCAACAACCGTAGATTTTACATGATTTCTGTAAATATACTCTAAACTTCTA  
ACGATTATCTTAGAATATTTTTCAAATTAAGGTCGTATAGGCGTCA

>trans\_c\_7070 NM\_124471|Arabidopsis thaliana CLPC1; ATP binding / ATP-dependent peptidase/  
ATPase (CLPC1) mRNA, complete cds

TGGGCTTTAGAGGATGGAAGATTGACAGATAGCAAGGGCAGGACTGTAGACTTCACCCCGCACAGTCTGATA  
ATGACATCAAATGTGGGAAGCAGTGTTATAGAGAAGGGAGGTTCGGAGAATAGGGTTCGACCTTGATTATGAC  
GAGAAGGATAGTAGTTATAACCGAATCAAGAGCTTGTGTCACTCTCCAGTT

>trans\_c\_7071 XM\_002875876|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutamate-1-semialdehyde 2,1-  
aminomutase 2 (GSA2), mRNA

CGAGGTCATGACCGGATTCCGATTGTCTTACGGTGGAGCTCAGGAGTACTTCGGAATAACACCTGACTTAACA  
ACACTCGGGAAGATCATTGGTGGAGGTCTCCCTGTTGGTGCATATGGAGGGCGAAGAGAGATCATGGAAAT  
GGTGGCACCAGCAGGACACCGTGCAACTTACTTGCAAGGTCTATTGCCGAAC

>trans\_c\_7072 NM\_105304|Arabidopsis thaliana senescence-associated family protein  
(AT1G66330) mRNA, complete cds

TCAGGATGATCGAAGCACCCGATAGAGATAAAGCGTGAGTACAACAGGAGAGTACGTGACCGGTGTTCCACT  
CTGGTTCAGTAGTCGGCATTGTGGGGCACTTGTAGAGGCAACAGAAAAGATAGTCGAGTGGTTTGTTCGA  
CGATATTGTATCTGGGAAGAAAAGTATTTGTTATGTAATTTGCGTATTATG

>trans\_c\_7073 AF404746|Chlamydomonas reinhardtii syntaxin 6 mRNA, complete cds

ATTTGAGAAAGAAGACAAGACTCAAATTCAGAATCAGAAAGTTTCAGTCAGAAGAACCTACTATTTGGATAAG  
AGAAGACGCATAATATCTATCTTGGAGTGCAAGCAGTTGAATGATCTCTTCATTCTCATCTCTCTGATTAGCTT  
GAGAAACCCCTCGCAAAGGAGGGTATAAGACCCTCGAGGTCTAGAGGAGT

>trans\_c\_7074 EU916256|Glycine max germin-like protein 8 mRNA, complete cds

ACTTCACAATGGTCGTTGTGTGGAGTTTAGGCGGGTGGGACTCCCCCTCACAGTGGAAGCATTCTCTGCAA  
GGGAAGCCAGAAGGGGTATCAGGAGACTTGAGGTGCGCGACGCAAAAGTCTTGAACAAGAGCGTCGGAAA  
GGGAGGCTGCAAGGAAGGAGAAGGCGAAGAAAAGAGGAAGAACCATCATCTTC

>trans\_c\_7075 NM\_179820|Arabidopsis thaliana BTB/POZ domain-containing protein (AT2G30600)  
mRNA, complete cds

TAAGCTCATTGAAGAACTTGTGAGAGGAAGTTCTCAATGCACTTTGATTATTGTACGACTGCGAACATTGAA  
TTTGTTATGTTAGATGAGTCAACTTTCCGCAAAATCCTTCAGTGCCCTGATTTGACAGTGACGTCTGAGGAAAA  
AGTACTCAATGCAATCTTAATGTGGGGTTTAGAAGCAAGTGAATATACA

>trans\_c\_7076 AJ586738|Solanum tuberosum gluB8-1-3 gene for 1,3-beta-glucan glucanohydrolase

GAGTACGGATGCCTAAAAGACGGAGGCAATAAAAAGTTCATATGGTAGATTGAAGAGGACTGAGGGCTCGA  
AATGAAAGACGTTCCGACGCTCCGTAGGAGTTGAGAAAGAATGATCGAGGTCAACTGGACCCTTGTTTATCC  
ACAGGTTAATATGTCCTTATCAATGAGACGCTCAAAGAATATTGAGAAGCGAC

>trans\_c\_7077 Novel Gene

TGTCCTTATCAATGAGACCACTAAAAGCCGGAAAGCCTATCCTCAGATTCTTCTAGTGGAATGAATGAGTCCTA  
TTCAATTCCTTGTTCAATTGAGGACCTTTTCGCAAATTCTTTGACTTTATTCAATTGATTGAGTCTCGTCTCAAATGC  
CTAATTTTTTCATATGGATTTGATCATTCTTTGATAAGGAATTC

>trans\_c\_7078 NM\_001058136|Oryza sativa Japonica Group Os03g0802500 (Os03g0802500)  
mRNA, complete cds

AGAGGAAGAAGAAAGAAGAGAAGTTGAAGGATGATGAGAAAGAAAAACCCTCCAAAGAATCTTCCAATAAA  
GAAGATGAGAGCAGTAGTAAAGTTACTTTGTCCGATTGTTGAATTTCAATTGATGGAATATGGTCAGCTTGTG  
GTGGGGAAAGGCTTATTGGGGGACAGCAGCCGGCGGCGAGATTTGGGTTAT

>trans\_c\_7079 CT029973|Poplar cDNA sequences

AATGCGCGGCTATCGACGACATGCAGCTGATCTAGCCAAAGGTCACCCACATGCTCAATCATGGGATGATGCA  
CTGAGCAAGGCGAGGTTTGAGTTCCGATGGATGGATCAATTTGCTTTGTCATTGGACCCTATGACTGCCATGT  
CATTTCAATGATGAAACCTTGCCATCAGAAGGTGGGCCTTGTTAGACAAA

>trans\_c\_7080 GQ998199|Euonymus americanus voucher FLAS:W.S. Judd 8071 RNA polymerase  
beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

AGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTCTGAATTATATGAAGCCAGTAAGCAAACAGCGAGTCCATGGGTATTTGAA  
CCCGAGTATCCGGGAAAAAGCAGAATATTTGATGGAAGAACGGGAAATCCTTTTGAACAACCTGTTATAATA  
GGAAAGCCTTATATCTTGAAGCCGGCCTCCTGGAGCAGCGCGCGCGCCGC

>trans\_c\_7081 X14411|Tomato U3 small nuclear RNA gene

AATCGCACGCCGCCAGACCAAGGCCTGTTGAACCGTTAATCACACCCCAGCCTCAAGGCAGTAGATCATCCAC  
CAGACTTTGGTTCTTGTCTCCTTAGAACTCAAGGACACAGATGTACAACCTATAGAACAGATCCTGTTCAAGTA  
AGGTCGTTTCGAGCTTTTCTGGGAGTATGGCATGGGTTACTTCAGCGC

>trans\_c\_7082 NM\_127204|Arabidopsis thaliana ADC1 (ARGININE DECARBOXYLASE 1); arginine  
decarboxylase (ADC1) mRNA, complete cds

CTTCTGGGTTGTTTGGAGTCCTTTGGCACGGGGACGGGATAAACACCCTGGTAATGAGAACCATATCCTTGAG  
ATTGAATAGCATAGTCAAATGCCGACTGAAGAGACTCAAGACGATTCTTGAGCACATCGGGAAATCTCACGAT  
AAGAGGAAGCTGCAAGCCAAGACCAAGGTATAGTAATGCTATGAATGAC

>trans\_c\_7083 GQ983777|Campanula trachelium photosystem II cp47 protein (psbB) gene, partial  
cds; photosystem II subunit T (psbT) and photosystem II subunit N (psbN) genes, complete cds; and  
photosystem II subunit H (psbH) gene, partial cds; chloroplast

CTGATACCCCGATTGAATTATTTGGGCCCACTCGTTATCAATGGGATCAGGGATACTCCAGCAAGAAATATAT  
CGAAGAGTTAGTACCGGGTTAGCCGAAAATCAAAGTTTATCAGAAGCTTGGTCTAAAATTCCTGAAAAATTAG  
CTTTTATGATTATATCGGGAATAATCCTCTCATGGAGCTGGATCGAA

>trans\_c\_7084 EF137254|Nicotiana benthamiana Impa2 mRNA, complete cds

CGATTGAGCGTAGTCCCCCAATTGAAGAAGTTATACAGGCAGGAGTTGTTCTCGTTTTGTTGAATTTCTAATG  
AGAGAGGATTTCCACAACCTTCAGTTTGAAGCTGCTTGGGCTCTTACAAATATTGCTTCGGGAACATCAGAAA  
ACACTAAGGTGGTCATCGATCATGGTGCTGTGCCAATATTTGTTAAGC

>trans\_c\_7085 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCAACAAGAAGTGCAAGTATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAA  
CAGACCGGTAGACTTGCCTTCATTTCTATTTCTAGAGAATTCATGTGCTTGGGAGTCCCTGATGATTAATGAT  
TAAATAAACCAAGATTTTACCACAGTCATGGCAAATCTCTCTGCGCTTT

>trans\_c\_7086 GQ998803|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C cytochrome c heme attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

CAACTGATTCAACAATTAGATCATTGGAGTTATCGTATTATTAGTCTAGGGTTTATCTTTTAAAGCATAGGTATT  
CTTTCAGGGGCGAGTATGGGCTAATGAGACATGGGGATCGTATTGGAATTGGGACCCAAAGGAACTTGGGCA  
TTTATTACTTGGACGATATTTGCAATTTATTTACATACGCGAACAAT

>trans\_c\_7087 GQ997034|Antirrhinum majus voucher FLAS:M.J. Moore 314 ribosomal protein S18  
(rps18) gene, complete cds; chloroplast

ATCGAATTGATTATAGAAACATGAGTTTAATTAGTCGATTTATTAGTGAACAAGGAAAAATATTATCTAGACG  
GGTAAATAGATTGACCTTAAACAGCAACGCTTAATTACTATTGCTATAAAACAAGCTCGTATTTTATCTTTGTT  
ACCTTTTCTTAATAATGAGAAACAATTTGAAAGAAGCGAGTCGACCG

>trans\_c\_7088 XM\_002303962|Populus trichocarpa tubulin alpha-2 chain (TUA2), mRNA

GTACCGAGGAGATGTTGTACCCAAAGATGTCAATGCTGCTGTTGCTACCATTAAGACAAAGCGCACCGTGCGAG  
TTTGTGACTGGTGTCCAACCTGGCTTCAAATGTGGTATCAACTACCAGCCTCCAACAGTTGTACCTGGTGGCGA  
TTTAGCGTTGGTGCAACGAGAGTGGGTACGTCGACTACCGCCGCAAG

>trans\_c\_7089 GQ997940|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 clp protease  
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

ATCCTCCAGGATTCTAACCGCCCAATTTACTTCATATTACTCGATTGATTAAGTTTCTATCAATGCTATTGAT  
AAATCGAATATGATACAAGTAGTAGTAATCATAGAATAGATAGATTCCAAATTGAGTTTTTCTAAGCGGAGC  
CTGGATACTTCATTTTATTAGTACAACCGAGAACCATAAATTATT

>trans\_c\_7090 Z35117|Vicia faba var. minor mRNA for alpha 1,4-glucan phosphorylase type H,  
(VfPho2 gene)

ATAGCGTTCGCGATCGGCTTATACAACAATGGAATGAGACCTACTTGCATTATCACAAAGCTGATCCCAAACA  
AACCTACTACTTATCAATGGAGTATCTTCAGGGCCGAGCTTTGACCAATGCAATAGGAACTTGAATACTCAG  
GATGCTTATGCTGATGCTTTGAATAAATTAGGGCATCTAGAACTTCTT

>trans\_c\_7091 DQ098654|Lycopersicon esculentum xyloglucan endotransglycosylase/hydrolase 16  
protein (XTH16) mRNA, partial cds

TTTGTGATAGTATGCAATGCAGCAAGGCTAGTGCGGTGGTGAACACATTCAACAGGCGTTACAGGGAACCT  
AGCAGTATCAGTACAATAATCATAAATCATATGGTTGGCTCGAACCCAAAGCAGCTGATGACTTTGATGCACA  
TTTAACTCTGAAAGCACCGGCTCATCCCACCAGAACTTCTTACCATCAT

>trans\_c\_7092 NM\_001062508|Oryza sativa Japonica Group Os05g0502000 (Os05g0502000)  
mRNA, complete cds

ATTGTATCATTCTGTTTGCCTATTACGACGTCTCCAAAACCTTTCTGGCTACATCTTTGGCACTGTTTGGTGGGG  
CATTGCTCTCAATCTCATTGCTTACTTTGTTGCTGCCCATGCTGCAGGTGCATGTTGGTATCTATTAGGGGTACA  
GAGAGCAGCAAAATGTCTTAAAGAGCAATGCGAGCCAGCACACC

>trans\_c\_7093 AY217657|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, partial cds

CCAGGACTCTGACCGCGTGCCAGAACCTTTCGGCTGCAGCTTATATGGGTGAGTATAAAACATGCTTGGTGTA  
TGCAGATCAATTGAAACAACGATGCGTTGAGAAATCAAGGATGGGTGTTTGGGAATGGAACAACCTAGCTGC  
TGATAGTGGACTTTGTGCTCTTGTGCCAAGGCTGTTGGAGAGTTGGAC

>trans\_c\_7094 XM\_002947854|Volvox carteri f. nagariensis histone H3 Lys 4 methyltransferase  
(VSET4), mRNA

TTTAGCCCGCGGCCAAGGGTCTGCCGGAGGGAGTGGAGCAAGCTCCAGAAACACCCATCTGGGTCTAGGAAA  
GTGGTTCTGTTCAAAGAGATCATGGTGAAGAGTGATTGTCGTGAAAGAGGAGGAAACAGAGGGGTGGGTT  
AAGTAAGGGGTAAAGAGAGGGGAGGAGAGAGAGAGAGAGAGAGCGGAGCGAG

>trans\_c\_7095 NM\_180259|Arabidopsis thaliana methyltransferase (AT3G15530) mRNA, complete  
cds

ATGACCATTCTAGTAGAGATTGGAATCAGATCTATGCGATCTATGGAGTGGATCAATGGCAAACCATAGTGT  
TTCTTCTTCTCATGCTCTGTTTTTACTGCTCTTCCATTTTTTACCTTTCTTACTTCGAACCCATCTGTTCTTTTT  
CGAGCTTCTTCTCCGGCGGCTCCGCCCGGGAGCGGATAAA

>trans\_c\_7096 FJ895899|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 ribosomal protein L2 (rpl2)  
gene, partial cds; chloroplast

CGTTTTCTCCCCTTTAGCCGGTGTAATTTTAATGTTTTCTGGGGAGGTCCGTTTGATATCCAAAAATTGCTCAGC  
AACAGTCGGACAAGTGGGGAATGCTGGGGTAAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGC  
TAGGTAAGCGTCTGTAGATTCTCCTCATCCCGCAGGTTTTGTAAACA

>trans\_c\_7097 AY968520|Coccinia sessilifolia ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase  
large subunit (rbcL) gene, partial cds; plastid

AATATAACGAATATGCGATTTATCCCCTAGACCTTTTTGAAGAAGGTTCTGTTACTAACATGTTTACTTCCATTG  
TGGGTAATGTATTTGGATTCAAGGCTCTACGTGCTCTACGTCTGGAGAGCCCATAGGCCCTACCGCTTATATTA  
AACTTTCCAAGGCCACCTCATGGTATCCAGGTTGAAAGAGATA

>trans\_c\_7098 X15190|Pea chloroplast GAPA mRNA encoding glyceraldehyde-3-phosphate  
dehydrogenase (GAPDH) subunit A (EC 1.2.1.13)

AACCTCATCTTCCCCTCTCTGTTCTAAACCTCTCTCCCATGGCTTCCTCTCTACTTCTACCATTATCGCTTTCTCT  
TCTACTCCTTGCTTTTGCTTCTTCTTCTTCTTCTGCTTCTGCTTCTCAATACCCCTAACCATGGCTACGG  
CTACTCTATCAGTAGCCAAACCATCTATTCAAGGCTAATGG

>trans\_c\_7099 FM992573|Mesotaenium endlicherianum chloroplast partial 23S rRNA gene, strain  
SAG 12.97

CGCTTCAGACGTAATAAGAACACGTGAAATTCGGTCGGAATCCGGGAGGACCATCTCCCAAGGCTAAATACTC  
CCTAGTGACCGATAGTGAACAGTACCGTGAGGGAAAGGTGAAAAGCACCCCGGAAGGGGAGTGAAAGAG  
AACCTGAAACCGTGTGCCTACGGACGACTATTCCAATTACGTGATGATTCT

>trans\_c\_7100 FJ899659|Jatropha curcas ribosomal protein S29 mRNA, complete cds

CTACCCACATGGGAAACGTTCTTCAATATAAATTCAACCCATTCTCTTCTAGGGATAATTAGCTTCTTAGCGG  
TACTTGATGAAACCAATTTCTTGCGTTGCTACGGAAGCACTGTCTGCAGCACATAAGTCCATACTTTCTGAT  
CAAACCATGTGGATTTCCGCAAACCCGGCTGAAAGAAAATGCAA

>trans\_c\_7101 AY727945|Palaquium ferox 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CTCGTTGAGCTCATCTTAGGACACCTGCGTTATCTTTAACAGATGTGCCGCCCCAGCCAAACTCCCCACCTGA  
CAATGTCTTCCGCCCCGGATCGGCCGTTAGGACAAATTCCCGTGAACCCCTCTTTTACTGTAAAATATTCCGTT  
TCACGGAATAAGTAAATAACGTTAAAAGTAGTGGTATTTACCC

>trans\_c\_7102 XM\_002866197|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 23,  
mRNA

ATAAGTGCTAAAGTAGATGGCTTGCATCGTGTTCAATCCAACGGTTTTTACAATACAGTTGTTGAGAAGTGGG  
ATGGGATAAAAATGCCTTCTCCGAGAATGGGTTCACTGGTTTGGAGAATATTAGCATCGGCTATGTTGCAGA  
TGAATGGGATGAAGAATATGATCTAGGTCTTTGAACGCAAGTTGCGC



>trans\_c\_7103 CP001329|Micromonas sp. RCC299 chromosome 9, complete sequence

AGAAGCCGTGCTAACGCGCCAAGGCTCTGCAAAATCAATCTCCTTTCGTCCCAATCCTTCCTTCATTACCCCTCT  
CTCGACCAATTTTCCACTAATTATTCTTTCAGAGGATTGTTTCGATCTTTTGAATCGTGTTTTTTGGAGGTTTC  
CGAATGGCTGACGGGGTTGATGGGCCCCAGGCCCAACTGTTT

>trans\_c\_7104 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
3-5

TATTGCGCCTAAATCTCTATTTTTGCTAATATTTTACGTCTTTTTATTTATGGTTCCTATGGAGCTACATTGCAA  
GAAATCTTCTTTTTCTGCAGCATTGCTTCTATGATCTTAGGAGCACTGGCCGCCATGGCCCAAACGAAAGTCAA  
AAGACTTCTAGCTCGCGACCTGGCCAAGTGCACGAACCGCGCC

>trans\_c\_7105 Novel Gene

AACGTAATGCTCACAACCTCCCTCTCTCAAGCTAGTAGCACAGTCAGTTCAGATATCAATGAGCGAGACTTCT  
GTCTTACACATATGCTCAAGAACTTTCAATTCCTCAATAACCAATTTCTGTTTTCTCAAGAGGATTGGTATTG  
CTCCTTTTAAAGGGGGAAACCCGGGCGGAGGAAAAGGGAGAGG

>trans\_c\_7106 AY727956|Lissocarpa benthamii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAACGGCACTTGTGTGCAAACCGACTAGCTTCGGAGACAAAAAGGGTTTTGAGAGTAGACGCTGGATAGCG  
AACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACGTAAGGGATTCC  
GGAGACGTCGGCGGGGGCCTCGGGAAGAGTTATCTTTCTGTTTAACAGC

>trans\_c\_7107 NM\_001056466|Oryza sativa Japonica Group Os03g0314100 (Os03g0314100)  
mRNA, complete cds

GAAAGGTCAGTTTATTTGATGTGGTGGATGAAACCTCGGTCTCCGCGAAGTTAAACAAAGTGAATGGTGGAG  
TAGCCCCGTTGAACAATGGCGGTGGAAATGCGGGGAATAGTCTTATCAACAGGTGGACTGGGAGGCAGTTCT  
CGCAGAGGTACTATGAGATTTTGTCTCCTCTCCTCAAGGATTCACCCA

>trans\_c\_7108 FJ002431|Picrorhiza kurroa chloroplast photosystem II 5 kDa precursor protein  
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CCCAGAACCCTGAGTCCCAACCCGGGAAGGGTTTTAATAGACAAGAAGAAGAAAGACAACAGAGAAAAAAA  
ATACATCTCTTCAAATCACTTGCGGCAAATACGGGCACATCCGTAACACTGTGTCTATGGAGCATACTTCTGC  
TTGGCTTCAGGAGACCCACGTGCCGGCTCATCCGCCATCGCCGCCTTC

>trans\_c\_7109 AM111340|Plantago major partial mRNA for photoperiodic response / GIGANTEA  
(gi1 gene)

TGCAACAGATGGGATGCTTGTAGATGGAGAAGCATGTACTTTGCCACAACCTAGAGCTATTAGAAGTGACTGCT  
AGAGCAGTTAAGCCTGTACTGGAGTGGGGAGAATCTGGACTTTCCATTGCTGACGGCCTTTCCAACCTCTTAA  
AGTTCCAATGACGAAACACTCCCACAATTGATAGGAAGTGCCGTATG

>trans\_c\_7110 AB499061|Ipomoea sp. Kenyan Pftf mRNA for plastid fusion and/or translation  
factor, partial cds

GAATGACGAACGAGAACAACACTTAACCAGCTTCTGACTGAAATGGATGGGTTCGAGGGAAACACTGGGAT  
TATTGTAATTGCTGCCACAAACAGGGCAGACATTCTTGACTCTGCTTTATTGAGGCCTGGACGTTTTGATAGAC  
AGGTCACTGTTGATGTCCCTGACGTGAAGGGTCTCCACTCCCGGGG

>trans\_c\_7111 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted  
repeat, complete sequence; chloroplast

CACTATCTCCCCCTGGTTTCCCAGATAGGGCATAATGGGGAAAAGGAAAATCCATGGACCGACCCCATCGTCT  
CCACCCACGAAAACACTACGAGATCACCCCAAGGACGCCTTCGGTATCCAGGGGTCGCGGACCGACACGCTCC  
AAAGTGGACATTTACCTTGCCTACGATCACTTACTCTCCGTTTTT

>trans\_c\_7112 S72358|psaEb=photosystem I subunit PSI-E [Nicotiana sylvestris, leaves, mRNA, 647  
nt]

TCCCAAAGAGGTGCCAAGGTGAAGATTTTAAGGAAAGAATCTTACTGGTACAAGGATGTTGGATCTGTTGT  
AACAGTTGACCAGGATCCCAACACTCGATATCCAGTTGTGGTTAGATTTAACAAAGTAAATTATGCAAGTGTA  
TCAACAAACAATATGCACGGTCGCTCTAACTTCTCAACGAATTCG

>trans\_c\_7113 EF471904|Medicago truncatula strain A-20 NADH dehydrogenase subunit 4L (ndhE)  
gene, partial cds; plastid

TTTTGTCAATTGAATTGAATCTATTACATTTTTGTTTCATATTGAAATGAATCGGAATTGATAAGGAGTTGGTCA  
ATCATGCTCGAACATGTACTTATTATAAGTGCCTATTTATTTCTATCGGTATCTATGGATTGATCACAAGCCGA  
ATATACGTTAGCCGGGCCGCACACTCGTCTAGGCGCCTGAAA

>trans\_c\_7114 AY049963|Nicotiana tabacum RENT2 repetitive sequence

ACGCAAACGGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCACTGAGTCGTAGACTCGTCACCCATGTATGGTAGCAGAT  
GATCTATGATGTTATAATTGCGTTTGCCACTACCGTTCCCAAGTAGTGTCTGTCAGACTACGAGTCTACTGTTTG  
CACGCAACGACTCTAGATCGGACTGTGGCCGGCCATACCCATTGTC

>trans\_c\_7115 NM\_115544|Arabidopsis thaliana AREB3 (ABA-RESPONSIVE ELEMENT BINDING  
PROTEIN 3); DNA binding / transcription activator/ transcription factor (AREB3) mRNA, complete cds

TTTCTTTCTCCATATGAACTTCTTCAATATCGAGATCAAAAATTTGCATTCTCATTCTTTTCATTGCTATGCATTCA  
AAAACATAAGAGAGAGAAAGAAAAGAACTCAAATTCCTCTCTCGTCTAGTGGAATGAATGAGTCCTCCGCTTTCA  
GACTCCTAACTACGGCTCCTCTCCTTCTAACCTCAGTCGA

>trans\_c\_7116 FJ588877|Santalum album isolate SA2 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGGAAAAGGTTCCATGTGAACGGCACTTGACATGGGTTAGTCGATCCTAAGAGACAAAAACCCAAAAC  
CTCATTATATGACAGCGCGAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGAC  
GGCAACCATTCCTAAATTCATGGCCGCCCCGGGATTCCTCC

>trans\_c\_7117 GQ997298|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 acetyl-CoA carboxylase  
carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

GATGCTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTGACCCTCGATTTAGGATAG  
TTGCATTGACAGTTATCTTTGGACTCAAATCTGTATTGATAGTTACATTTAAGTGGTAGTCACAATTACAGTGA  
CAGTTACATTTATAGTTCTATTTGTGCTGTCCTTGTTCCCGCT

>trans\_c\_7118 Novel Gene

CGTGCTAAAAATCCGGTACATTCCGTTTTGTTTTTCATCCTAGTCTTTTGCAACACTTCAGGTTTACTTCTTTTGT  
TAGGTCTCGACTTCTTCGCTATGATCTTCCTAGTAGTTTATATAGGAGCTATAGCCGTTTTATTCTATTCGTTGT  
TATGATGTTCCATATTCGTCGCGTCTCTCCTAAAAACC

>trans\_c\_7119 AL161595|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 91

CATACCTGGGAGTCTAACAACCTATGGGATCCTGTGCTTGGAAGGAAGCCGGGGTGATGAGCTAGAGACCTA  
AGTTATCCTTATCCCTAGAGAAGGCGGCCACTGCGAATGTTTTGAGAAACAAGCCTTAAAGGCATCATCATTG  
TTCTCCGGAGCTCATAAGGACCACCGTTGTATAACCATTCAAC

>trans\_c\_7120 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAAAAACGATGTGCGAGTCTCTAGTAAACCAAGACATTGTTTTTATCTCGCCCCACCCATCCTGGCTCTTTCC  
GCGTGGGAAAAAATTGAAGATTAGTTACGATTAGAAAAAATTCACCTACCTGGGCAGAAATCACATTGCGT  
TAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTAAAC

>trans\_c\_7121 EU017137|Passiflora biflora photosystem II protein D1 (psbA) gene, partial cds;  
chloroplast

AAACTGAAACTCTTTATTAATAAATTAATAAGACATTGAAACGATGACATTAGTTGATTAAGTTAAACCTTCT  
TTTTGAATTCTATGAACCCTTACCTTATTTCTTTCTCAAACCGCTTTAGGTATTAGCACTATGGCTTTCAACTT  
AAATGGTTTCAATTTCAACCAATCTGTAGTTGATAGTCAAG

>trans\_c\_7122 GU171770|Ipomoea batatas microsatellite Stv\_lpb\_809 sequence

AATGGCGGCGAGTGTGGCGGTGGCTCAAGGCCACACTGAGATCGGACACAAGTGGAATCTGGACTTAAAT  
CTCTTCGACAAGGTCGGAGGCTTTTGTCTTCCGGTGAAAATTCGGCGGATCTTCGTCCACTGTCCAGTTGGTT  
GGATCGGAAGGCTCTGGAAGTGTCCGGAGCTGTGACGTTGACAGAG

>trans\_c\_7123 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

AGAAAAAATAAAGTAAAAGTATAAATAAACAGACTCCACACACAGGAATCTGTGCATATTTCCGATTAAATCC  
TCTTGTGTGTAGACGTTCTATAGTAAAAAATTGCTATTTCTCTTTCTCCACAGAGAAACGTTTATTCCAAGTCAC  
AACATATGAGCCGTTTAACCCGCGAGGGAAAAAGGGAACCCGT

>trans\_c\_7124 GU385800|Erica trimera voucher O:Mulugeta Kebede and Adane Assefa 4 maturase  
K gene, partial cds; plastid

AGAACGATGTCTAGGATTGAGGCTTCTTCTATCTATTGATGATTATTCGGGAGTTTAGACTCTGGTTCTTTTCA  
ACCAGCATTCTGTTTTGAGTTGGGCGCCTTCTCGGGAGGGATTTCATTCTCTTCTTGCCATTTCACTCTTTT  
AGTACCCACATGAAGAAGGGGAGGGACGGGGGCCGTGACATT

>trans\_c\_7125 DQ492683|Medicago sativa cysteine protease (CP1) mRNA, complete cds

TTAGCGGTTTTCGCTTGATTCAAAAAGGAGTTTACACCAAGTAACTCATGCGGCAGTACCCCTATGGATGTAA  
CCACGCTGTGCTTGCAAGTTGGTTATGGTGTGCAAGATGGTATGAACCACACCAATCCATCCCGAACTTGGTGG  
TTAAACTCTACTGCGGTGACGATACATCCCCTCCAGGACGCC

>trans\_c\_7126 DQ629277|Leiosporoceros dussii large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GCTGTTTACCAAAAAACACAAAGAGAATGTTTGTCTAAGACCATGTATGGGGGCTGACGCCTGCCAGTGCC  
GGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATGACAGGACAGGACATTCACGGACCCCCGGTGAACGGCGGCCGT  
AACGCGCCATTGAAGCCTTGCTATCCCGGAAGGTGATTTCCTGGAA

>trans\_c\_7127 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons 3-5

TAGCAAATTCTATTTGTTTTTCGCCGCTTTGGGTTGTGGGGCTTACTTCCTAGCCTCAGTGGGAGTAGTGACTA  
GCGTTATAGGTTGTTTTTATTATATACGCTTAGTGTTTTGAATGTTTTTGATACACCTAGGACATGGATTCTAT  
ATGAACCAATGGATCGTGTGTGACTACCTGACAGCTACATG

>trans\_c\_7128 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

GTCCGATTTGGTCCCTGGACCTGATAACCCCCACTGGTGGAATGCTCTCGAAACCCATTCACTTGAGTGAGAC  
AGAGGAGAGTGGAATTTTCGTGTGTAGGGGTGAAATCCGGAGATCTACGAAGGAAGGCCAAAAGCGAAGGC  
AGCTCTCTGGGTCCCTACCGACATCAAACATCTTTCACGTTGGAGC

>trans\_c\_7129 NM\_129661|Arabidopsis thaliana nucleic acid binding (AT2G40960) mRNA, complete cds

TGGTTGAGGCTCTCCAGAATCCTCGACATCGTCTTACCATTCTACGAATGGAACCTTGACATCCAGAAGTTTTTG  
AATAATCCTGACCAGCAGCTTTTTGAGTTCCAGCATTTCCCACTTCATACCTTCGACTTGCTGCTCATCGTGTT  
GCTCAACTAATACCGGAAGTTTGGTACAAAGTCCTGACTGG

>trans\_c\_7130 XM\_002871031|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin-dependent glutamate synthase 1 (GLU1), mRNA

CAGACCAGGAGGGGAGTATCATGGAACAACCTGAGATGTCAAAGTTGCTCCATAAAGCTGTGCGTCAGAA  
AAATGAGAATGCTTATGCAGTATATCAGCAGCATTTGGCTAATCGGCCAGTGAATGTTCTTCGTGATCTTCTGG  
AGTTCAAAAGTGACCGTGCTCCAATTCCTGTGGGAAAGGTGTCC

>trans\_c\_7131 AY103984|Zea mays PCO074888 mRNA sequence

TCAGTACTGAAGGGGAAGTGCCCTACAAGGAAGGACAATCGATTGGGGTAATAGCAGATGGAGAGGACAAG  
AATGGGAAGCCTCACAAGTTGAGATTATACTCCATTGCAAGCAGTGCTCTTGTTGACTTTGGTGACTCCAAAA  
CTGTTTCTCTATGTGTGTGAAGTGACGTGTTACACGTTTGCAAAC

>trans\_c\_7132 AF393587|Climacium dendroides large subunit ribosomal RNA (rrl) gene, complete sequence; chloroplast gene for chloroplast product

GATGGGGAGGGAAATTGAGTACCGAAGTTCCGGATTTCACTGCCAAGAAAAGCCTCTAGTTAGATCATAG  
GTGCCCCGTACCGCAAACCGACACAGGTAGGCGAGAGAGAGGCTTCTAGGGGCGCGAGACAACCTCTCTAA  
GGAACCTCGGCAAAATAGCCCCGTAACCTCGGGAGAAGGGGTGCCTCC

>trans\_c\_7133 AY896879|Vigna mungo var. mungo 5S ribosomal RNA pseudogene, complete sequence

GAGAGTTGTCTCGCGCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCTGTGTCGGTTCCTCAAGTGGTCACCCAACTTAG  
TACTACTCTCGCCCAAGCACGCTTAACTGCGGAGTTCTGATGGGATCCGGTGCATTAGTGCTGGTATGATCGC  
ACCCCTTCTCTGCGGGGTCTGAGCGGTCATTTAGGGGCCTTA

>trans\_c\_7134 XM\_002871556|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nodulin family protein, mRNA

AGACCTGTTGCCGGTCATCGACAAGTAAGGCCGTCCGATGGCATGAGCTTTTCTAGTGTTTATGGTGTCTGCC  
CTCTTTTGGCTGCATATTTGATGGGAGTCATGCTTATCGAGGATCTTGTTACATTGAGCCCCACTGTGATAACC  
ATATTTACACACCAATACAAACAACGAATTCTTACGCCCTTTT

>trans\_c\_7135 U81163|Prunus persica auxin-binding protein (ABP19) gene, complete cds

GGTTTTGACACCTTACCCTCAGTGACGTCGTCGGTGAGGTTTGAAGTGTTACCAGCAACACCAAGACCCGAA  
TAAACAAAGTCTTTTTCTGTGACAAGGGATGCCTTCTTGCAAGGGAAGCCAGAAGGGGTATCAGGAGACTTG  
AGGTCGGCGACGCAAAAGTCTTGAACAAGAGCGTCGGAAAGGGAG

>trans\_c\_7136 GQ917183|Glycine max cultivar Kefeng No.1 rubisco activase (RCA11) mRNA,  
complete cds

AGACATAATCAAGAAGGGGAAAATGTGTGCCCTCTTCATCAATGATCTCGATGCAGGAGCTGGTCGTCTCGGT  
GGCACTACCCAATACACTGTGAACAACCAGATGGTCAATGCTACCCTCATGAACATAGCTGACAACCCAACCA  
ATGTCCAGCTACCTGGAATGTACACACAAGAGGAGAACCCTCCA

>trans\_c\_7137 XM\_002502675|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6 voltage-gated ion channel  
superfamily (CAV4) mRNA, complete cds

CATATGTACGTAGAGCTTCGCAATATATATCGAGCTCTACCAGGCGTGGCGCTGGCGTGCAAGCGAAGCGCT  
ATTGGCGGCAATAAATAGCTCACTGAGCTGATTCCCTACCTCTGAAAGCGGAAGGAAGGCAGTGCCCTCTCTT  
CTGATTTTATGGATTGGTCTCTCAAATTCTTTGAGCCTTTGGTCT

>trans\_c\_7138 AY050367|Arabidopsis thaliana AT3g19760/MMB12\_21 mRNA, complete cds

TCTCACAAAACCTCAAGTGCAAAAGCATATATTAACACAATTCTCCACAGCATACAACAGCAGGCAGGCAGC  
TTCAAGCAAGCGTTAAATCAAATCAGCAACATTCATGGGCATCTCGTCAATCTGGGTACTGTAGTATTGCTCAA  
TATCTCTCAGGATCTTGATGTCATCGCTTTTCACAAAGTTAAT

>trans\_c\_7139 HM640761|Bulbine semibarbata voucher K Dixon, s.n. (KPBG) 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

GGGACCGTGGGGTGAACACGTTCTACACGCGTCTACGACCCTAGGACCACGCGAGTGTTGCTACTTGTATCAG  
TTAAATGGTCTGAGCATTGACATAGTTGGTAACGTTATTCCTCCTATGGAATTTACCTCTGACTATGAAATAC  
GAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGA

>trans\_c\_7140 Novel Gene

AGGCGTAGGTATAAATAAGAGCCTGAAGAACCGTTAGTAGAGCTATTTAGAGGGAATGCGTAGTTGTTTAAG  
CCTCAATTTTTTTGTGCCTGATGAACCCCATGAGTTATAGTTTTTGCACGAATTACTTCCAACACGGCTCTAAG  
TTCTCTAACACGTGTGGATCCGGCTACCGGGGGTCTAGCTTT

>trans\_c\_7141 AB039745|Citrus jambhiri mRNA for lipoxygenase, complete cds

GAGTTGTTTTCCCCTGGAAAATACTCAGTAGAATTTAGTTCTGTTGCTTACAAAGCTCAATGGCAGTTCAACTT  
AGAAGCTTTGCCTGCTGACTTAGCCGGTGAAAAACCAATTGTTGAGGACCCAAATGCACCACATGGACTGAA  
GCTTGCTATTGAAGACTACCCTTTTGCCAACGATGTAAGTGCT

>trans\_c\_7142 DQ535800|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought melon ribulose-1,5-  
bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

AATATATGCTTTATGTAGCTTATCCCCTAGACCTTTTTGAAGGAACCTCACCTACTAACATGTTTACTTCCATTGT  
GGGTAATGTATTTGGATTCAAGGCTCTACGTGCTCTACGTCTGGAGGATTGCGAATCCCTACCGCTGCGCGG  
CCCCAGGGAACCTTAAACAAGACGTTGCGAACTTGGTCCCT

>trans\_c\_7143 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

AGTAGCCCGAGGCCGAGCGCTTCCCTCTTGAGTTAGGGGTGGCGTGGTATTCCACAGGGAGAGGTTTTTTCA  
AATTGTGGCGCACTCTCAGTTGCGTTGGGCTTAACATTATCACTTTCCGGTGAGGGCTTCCATGGCCGCTTTAC  
TGCGGTTGATTGTTGTCAAAGCGAGGGATTCGCCCTACATT

>trans\_c\_7144 U46137|Solanum tuberosum chaperonin-60 beta subunit mRNA, nuclear gene  
encoding chloroplast protein, partial cds

TGCTGCCGGTGGCCTTCGGAGAGCCATACTTGCTTTCTAGAACCACATTTCTTCCTTTGGGACCAAGAGTAACT  
CCAACTAAGTCTGCAAGTTTGTTCACACCGTTCTGTAATTTCTTAATAGCTGAGCCATCCTGGTTGAAATGCAAT  
TCCTTCGCCATGGCAGAGATCTTGAAGAACGGTTTCTTCT

>trans\_c\_7145 CP000586|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 6, complete sequence

GCGAGATAAAGCTAGAATCGATAGATGACGAAACGAAGAGAAATCCATCTGGGTCTGTCTCTAAAACCCCAA  
TTCCTTGAAGTCTGAGTGAATCTGGAGAAACCCACCTGGAGAAGAAGCTTAAACACTGTGAGAATGCAAGTA  
AAGTGAAACTTAAAGGGGTTTGCTTGATGGGTTTTTCCGTTTCT

>trans\_c\_7146 DQ407054|Cercis canadensis RNA polymerase beta chain (rpoC2) gene, partial cds;  
chloroplast

GAAATCCCCGAATTGGTTTTCCATTTCCATAAAGTATATAATTGACAACTCTAAGCTCCAGATTATCCCTTTCTT  
GCAATAGATCCTGTGGGAAAAGTTTTACTAAATTGATACCGTCGGCTAGTTCATATATGATTACAGGTGCAAC  
AAAAACAAAATACTTTTCTCCAACGAACACATCTTGTCAA

>trans\_c\_7147 D29775|Lilium formosanum gene for 18S rRNA

TTTCAATGTTTTGTCCACATGGAGCACATATGAGCATCAAAGCTTCAACATATCTGCAACGATGAACATAGTCA  
ATTTACCAGACTCGTAACTGTATCAACCATTGCAATAAGGAGGATAAAGGCCTCACCTCTGACTATGAAATAC  
GAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCG

>trans\_c\_7148 HQ163776|Morus alba actin 1 (ACT1) mRNA, complete cds

CATGCCATTCTCCGTTTGGACCTTGCTGGTCGTGACCTTACTGATGCTCTCATGAAGATTCTCACTGAAAGAGG  
TTACATGTTACCACTGCGGAACGGGAAATTGTCCGTGACATGAAAGAGAAGCTTGCTTATGTTGCACTC  
GACTATGAGCAGGAACCTTGAGACTGCTGGTCTGCTCTGGTCA

>trans\_c\_7149 NM\_001059413|Oryza sativa Japonica Group Os04g0441900 (Os04g0441900)  
mRNA, partial cds

GAAGTAGTACGAATATCCTCGGTGAAGATTTATAAGTACCAGCTCATTTACTGTCTCGTTGATTGGAAGTAGCT  
TATCTCTAAGTAGCCAAAACCTCGTTGAAGAAAATGGTTGGATAGTAGTTTCCTGTAGTGGGCTCAACATTCAA  
GTAAGGAGCAATATTTGGTGGAACGCCATTATGAGCATATCG

>trans\_c\_7150 Novel Gene

AATAATAGTCCTATAGCGCCACATTGGCCCAAGTTTTAACTACCGCAGACTTGTTTCATAGCTTTCAACTGAG  
CGGCAGACCCGACACGACTGACGGATAAGCCGACGTTAATAGCAGGTCTAATCCGCGATAAAAGAGCTCAG  
TTTCCAAACAGATTTGTCCATCAGTAATAGAGATCACATTGGT

>trans\_c\_7151 NM\_001062345|Oryza sativa Japonica Group Os05g0470800 (Os05g0470800)  
mRNA, complete cds

TGTATCCCAAATCATGATACTTTGTTGAATACAGACCAAGAGAAAGACCTAAAGACCGCTCTTTGTATGATGA  
AAACTCCAACCAATCTTGGGAAAGTAGGGATAGTCGTGCCACCAAAGGAGTCACCAATCGCTTCAGCCTAGG  
GAAATAAACACCAGCACTCACCTCAGATGTTTGATTAGGACCGT

>trans\_c\_7152 AY105831|Zea mays PCO126824 mRNA sequence

ACCTACCTCCTCTTGGACCCCATGATGTCAGAGTTAAGATGAAGGCCGTTGGTATCTGCGGCAGTGATGTTCA  
CTACCTCAAGAATATGAAATTGGCACACTTTGTCGTTAAAGAGCCAATGGTGATTGGGCATGAATGCGCTGGC  
ATTGTTGCTGAAGTTGGGGCTGATGTTAAGCATTTAGTGCCAC

>trans\_c\_7153 X69731|C.laevigatus chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase  
and promoter region

TGCGTGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAATGAGAATTTTGTAAGGATTCCTATAAAAG  
GTTTCATTAATACTAATTCATGTCGAGTAGACCTTGTTGTTGCGAGAATTCTTAATTCATGAGTTGTAGGGAG  
GGACTTATGTCACCACAAACAGAGACTAAAGCAAGTGTTGGAT

>trans\_c\_7154 NM\_001057799|Oryza sativa Japonica Group Os03g0748000 (Os03g0748000)  
mRNA, complete cds

ACTGGCAACAAGACAAATGGAACGGCTGTTCCCTGTTAAGTGGCATGTAGTGAAGGATGTTCCCAACAGTCT  
TTTGAAACACATCATTCTTGAAAACAATGAGAACAAGCCCGTTACCAATAGCAGAGACACAGGAGGTCAA  
GCTGGAGCCTGGCCTTATCTACCAATTTAGAAATTCCTCGTAC

>trans\_c\_7155 AJ428126|Cosmocladium constrictum partial 18S rRNA gene, strain M 495

AGGCAAACCGAAGTGTGTGCCCTCCATCACTGTGCGGGCGGTGTATGGTTTAGTCCTACTGAGTTGAATTGG  
AATGAGTACAATCTAAATCCCTTAACGAGGATCAATTGGAGGGCAAGTCTGGTGCCAGCAGCCGCGGTAATT  
CCAGCTCCAATAGCGTATATTTAAGTTGTTGCAGTTAAAAAGCT

>trans\_c\_7156 XM\_002298396|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

AAAGGGGAGGTGGAGATATTGATGCCTGCACAGATGTGCTTGTTGATGACTCCTTACTAAATGATGAAGCAC  
GCCAGCCACTTTACGAAAGGTTTCTATTCCATCATCTAGGATAAACCCCTTACAGGATGGTGATTGTTCTGCGG  
CTTGTAATTATTTGTTTTTTCTTGCATTACCGAAGACACCCGG

>trans\_c\_7157 DQ304537|Cucurbita maxima translationally controlled tumor protein mRNA,  
complete cds

GCGCTAGGCCTCTAAGTTAAAACGTTAGTACAACCAAATATCAGGACCTCGTTTCTGGTGACGAGCTTCTCTCG  
GATTCGTTTCCATACAAGGAAATTGAGAATGGAATGATTTGGGAAGTTGAAGGAAAGTGGGTCGTTAAAGGA  
GCAGTTGATGTGGATATTGGTGCTACAAGAGTGATCAAGACAA

>trans\_c\_7158 XM\_002888299|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytochrome f, mRNA

TAAGCAAAATAATACGAAAAGAAAAAGGAGGATATGAAATAACCATAGTGGATGCAGCGAATGGGCGTCCC  
TGTTGGTCGCGCGAAAGAACTTCAACTCCAGGAGGTGGGACTCTTTATCCGAACGACCCAGGTGACCAAC  
GGCCATCTGCCGAAGCCGTGTTTCTTCGGGTTGACAAAGAGCATA

>trans\_c\_7159 M94012|Glycine max maturation-associated protein (MAT9) mRNA, complete cds

AAATTCTTTGAACCGCTCATCATTTTCAGTCGAGTTATTTTATAATGCACTCCTTCGTGCAACCTTTACATAAGCT  
ACGCCCTTCTTCATTGACTCCTTATCAGTCGACTTTCTTCGCCCCGTGGGAGTCGAGTTATTTTATAACCTCCTT  
ATCGTCTTCTGGCTGATATAACTGCAAGAAGATGGA

>trans\_c\_7160 AY058069|Arabidopsis thaliana At2g46080/T3F17.27 mRNA, complete cds

GTTTTTCCCCTTTGGGAATCCCTTCCGCATGAGATCTCCCAAAGGTTCAAATTTGCCTTCAAACTTGATAGATAT  
ATTGAATGCTTTTGAAAGAAGCCTTGCTGAAAGACTACAAAAGCTCCATCCATCTAGTGAGGATGACGTTCTT  
AGCCTTTCGTGGATGATATTAGCCATGGAATTGCTTTGTG

>trans\_c\_7161 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA  
(rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence;  
chloroplast

AGTCAAGAATTGTTTAAGACACCGACAGCTAACCGCGTAGGGGAGAGACGTAAGGGAGGAACTCCGAGGGA  
GATATTCTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACCAACCAATCCATCCCGAACTTGGTGTTAACTCTCATAACC  
GCATCAGGTCTCCAAGGTGAACAGCCTCTGGTCGATGGAACAAT

>trans\_c\_7162 Z75660|S.rostrata mRNA mitotic cyclin

TCCATCAGTTTGTGACCACACAAACATCCAAATGCGCGCACACCACTTTGTTGGTGGAAAGTGAGAAATACGT  
AGAAAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGACTAAAGAGAGTTTCTATGGTGTGAATTATTATTTGTGGTGGTATTGTA  
CATTAGTTGAAAATGAATGAAGTGCTTTTGTGCTGTCGTACAT

>trans\_c\_7163 XM\_002875190|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase  
family protein, mRNA

TATAGGTATTCTAGATATTAGGATTTTAAATACGGATAGGCATGCTGGGAATCTCTTAGTTCGGAACTTGATG  
GAATAGGAAGGTTTGACAAGTGGAGCTTATTCCTATAGATCACGGTCTTTGTTTGCCGGAGACATTAGAGGA  
TCCATACTTTGAGTGGATTCAATTGCCACAAGCATCAACTT



>trans\_c\_7164 Novel Gene

ACTAAGATCGGTAAAGAGCATAGAGCAAAACGGAAATTGAAAGACCAAAGGGCAATGGCAATGGCTGCCT  
CTAACCTTTCTTGCAATTGCTTCTGGAGTTGTCATCCCTTCTTCAACTACCATTTCTTCTTCTCTAGGTTATCT  
TCTTTGGCCTTCTCCCCAGAGGCCTTGGCCTCGCCCTGG

>trans\_c\_7165 Novel Gene

GGGGGCCCCGACAGATAACAAGATGCACAACCCGGCCTAGCACAAATATAAGAACCTTACCAGCCCTTGACA  
TATGAACAAGAAAACCTGCTTAACGGGATGGTAATTTATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTG  
TCGTGAGATGTTTGGTCAAGTCCATAAACGTGCGAAACCCAAT

>trans\_c\_7166 XM\_002892193|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata vesicle-associated membrane  
protein 7B (VAMP7B), mRNA

AGGTGAAAGCTCAGGTATCAGAAAGTGAAGGTGTTATGATGGAAAATATTGAAAAGGTTCTTGATAGAGGA  
GAGAAGATAGAACTTCTGGTGGATAAGACAGAAAACCTTCATAACCAGGCACAAGACTTTAAGACTAGTGGA  
ACAAAAATTCGAAGGAAAATGTGGCTGTCCCAAATGCCCCCAAAG

>trans\_c\_7167 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

AGCCGCTTCTCTGTTTCTTCTCAAGTCAATAACTAGAATGAAAAAACGGGAATACCAACGCATCCGGGAATA  
AACGATTGATCTCGTAATTATCTGGGCGATTCGGGGCTTGGATGACATTCAGCAGTTGTCATGGGTACCCTG  
TCGCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTC

>trans\_c\_7168 AY195982|Coccoid green alga JL 4-10 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTGGGTTCCGGGGGGAGTATGGTCGCAAGGCTGAATGAATTTCTAGGATAGAATACTTGTTGAAATTCCACA  
TACTTCAAAGTATAAAATAAGAAATTCGTCTTCGTCTGCTATCTCTAAGGTAAATTGAATTCAACTAGATCCA  
GTCTTCGTATGGATGCAGTCCTATTGGGGAAGAACTTTT

>trans\_c\_7169 AB498929|Glycine max GmCRY1b1 mRNA for cryptochrome1, complete cds

GCCACCGGTGCTTCTCATCTCTTCTTCAATCACTTATACGATCCTTTGTCGCTCATTCGGGATCATCGAGTGAAG  
GAGGTTTTATCTGCCCAAGGGATACGTGTGAGGTCTTACAATGCAGATTTACTGTACGAACCTTGGGATGTTA  
AGGATGCCAATGCGTTGGGCAAATGATTTCCCATCAACC

>trans\_c\_7170 FN563080|Chlorophyta sp. CCMP1205 plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 1205

CTGCACGAATGGCGTAACGACTTCTCAACTGTCTCAACCATAGACTCGGCGAAATTGCACTACGAGTAAAGAT  
GCTCGTTACGCGCAGAAGGACGGAAAGACCCCGGACCTTTACTATAGTTTGGTATTGGTGTTTCGGTGCGGTT  
TGTGTAGGATAGTGTCTGTACAGGTACGTGTGCGGTTG

>trans\_c\_7171 NM\_127816|Arabidopsis thaliana UCP5 (UNCOUPLING PROTEIN 5); binding (UCP5)  
mRNA, complete cds

TCAAATCCTCAATTTCACTCTTAGAATGGGTTTCAAGGGATTTGTCGAAGGAGGAATCGCTTCCATTGTTGCCG  
GTTGCTCTACTACCCACTTGATCTTATCAAAGTTTCGGATGCACGGCTACGGCGAGAAACCGCCACTTCCAAAT  
CTCCGCCCTGCCCTAGCTTTCAATGCAAAGAAAAGACCC

>trans\_c\_7172 X55963|H.annuus mitochondrion atpA gene for F1-ATPase alpha-subunit and ORF H522

GAGACAGTGCCAGATCGTTACGCCTTTCGTGCGGGTCGGAACCTACCCGACAACCTTGACAGCAGCATAAATG  
ACTAGAATTTGTTTTCAATGTTCAAGTGGTGCATATTGTGCTTGTTCAGACTTCTGTAAGCCTTGACCTCTA  
TTGAGTAATGCCTGAGTCGCAGCATCAAGGTCTGACCCA

>trans\_c\_7173 AY147726|Smilacina racemosa ribosomal protein L2 (rpl2) gene, partial cds;  
chloroplast

GTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAATTACGTTACAGACGTGTATGATCTTCTACATCCTAG  
GTCTTCCCCTTCTTCATCTGGCTTATGTTCTTCATGTAGCATTGACACCGAATGACTCTATGAAATTACGTCGA  
TACTTCCACATATTACGGGTAACGTAGGAGACATCTCT

>trans\_c\_7174 HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)  
mRNA, complete cds

GGTTCTCTGTAGTCCAAGGAGATGGGGAGGAGCGAACGTGGGAGTTCCTATGCCGTTGTTTCGGATACCGAA  
GGAAGCAGATTTCTTGAGTTTGTGAGATCGTTGCCATTCATTCCCCAGTCTAGTTTGCCATCAGGGGAGTCC  
AATCTGAGAGATGGGAAGACATAGTAGCTGCAGAATTTGCA

>trans\_c\_7175 HQ340170|Oryza coarctata ubiquitin 2 gene, partial cds

AACCGACAAAGTGAGGTTGAGTCGTCTGATACGATCGACAACGTCAAGGCCAAGATCCAGGACAAGGAAGG  
GATCCCCCGGATCAGCAACGATTGATCTTCGCCGGCAAGCACAGGTCTTCGTTAATCCAGAGGTAATCAGCA  
CCACGGACTCCCTCTGACCAGAGGACAAGGTGAATCAGTCGTG

>trans\_c\_7176 X05084|Broad bean (Vicia faba) U2 small nuclear RNA

ACTTGTCCGCGGAAGTGAGCAAAAGAACACAACCCCTTTGGCTAAGATCAAGTGTAGTATCTGTTCTTATCAGT  
TTAATATCTGATACGTGGGCCATCGGCCACATGATATTAATTTATTTTCTAGGGGGAGGGCCCATCCCAAT  
TTAAATAATTATTTTTTTTTTTTTTCCCCGTGCCAAAT

>trans\_c\_7177 XM\_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family  
protein, mRNA

TCAGGTAATGAATGAAGGACCTGGGCATATCCCAATGCATAAGATCCCTGAAAACATGCAAAAACAGCTTGA  
GTGGTGTAATGAAGCTCCTTTTACACTCTTGGTCCTTTGACTACAGATGTAGCCCCTGGATATGACCACATTA  
CCTCTGCCATGTTCTGACGGTTATACAACACTCAACGCACA

>trans\_c\_7178 NM\_001069202|Oryza sativa Japonica Group Os09g0248200 (Os09g0248200)  
mRNA, complete cds

TGGGGACGCTTGAGAGCTGCAAAAAGGCATGAGCCTCCAGTGAGTTGCCATTACTAGCATCCAGATCAAGAG  
CATCCAACCTTTGGTTTCCATTCTCCAGAAATTTCTTTGCTTGACCTTGACTTCAGCTGACATCACCAGAAACA  
GATTTAACGTCCATAGTTTTAGCTTTAGTCTCTGTTGT

>trans\_c\_7179 XM\_001695963|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AACTGAGAGACCCTACATCAGGTCGAGCCCTTGATCCTGGGCGATTCCCCTTGAATGATCTTCCCCTTAGGCTA  
GTCCAACAAAGGAGACTCAGAGCCTCTCCAGGTTCCGCACCCTACTACTTTACCTAGCTTCTGAGTTCAGTTAG  
TCAGAGCGAGTAAGCAAGAGCCAGGAGGCTGACTCATAA

>trans\_c\_7180 Novel Gene

AGGGTCTTGGTGAGGAGGAAGAACACATCGCCTTTGAAAGCCAAGAAAATGGTTCAGTAGGCTCCTATGAAA  
ATAGCGACCCGAATGGTGCTTCTAAGGAGAAGAAGAGTTGGTTTGGTTGGAACAAGAAGAGTGGCAAGGGA  
AGTAATGATGATCCTGATGATCCAGGAGCTTTAAAGAAAGTTTC

>trans\_c\_7181 AM235527|Callistemon citrinus partial 18S rRNA gene, specimen voucher F.  
Rutschmann fru 79 (Z)

GGACCGTGGGGTGAACACGTTCTACACGCGTCTACGACCCTAGGACCACGCGAGTACCATCGTCCACGCTGA  
CCGGGCAACTCAGATGCCAGTGCGACCAACGGTACCGCCTTCTTCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATAC  
GAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCC

>trans\_c\_7182 NM\_001123947|Arabidopsis thaliana CPuORF19 (Conserved peptide upstream open  
reading frame 19) (CPuORF19) mRNA, complete cds

CAGATGAAGATCATTCTCCAGCTCGTAGCCATGCCGGTGATAATGACCAAGCAGCCGATGACGAAGATGATG  
ACGATGTGCAGTGGCAAACAGATACTTCTTTAGAGGCGGCCAAGCAGCGTATTCAGGAGCAGTTGAGTGCTG  
TCACTGCTGATATGGTCATGCTCTGAGTCGCTGACAGAGTGAA

>trans\_c\_7183 XM\_001694459|Chlamydomonas reinhardtii ATP-dependent DNA helicase  
(CHLREDRAFT\_173679) mRNA, complete cds

TCGCTTCTTCTCCACCAAGCACGGAAGTTTCAGGATAACTGTAGGTCGGTGGCTACCTAAGGAAACTCCGATT  
CGATCCGCCCCCGGCTGGGAGGCATCTACCTCATCCCGATCACAAGGAGAGGTTACCATGATGGGGGTAC  
TTCTTTTCCCTTCCGGAAAGAATGAAATGCATAGGGGACCA

>trans\_c\_7184 L49152|Mesostigma viride large-subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

AGCGCTAGCTTACGTGGAGGCACCCGTGGGATACCACCCTCGCTGTATGAACATTCTAACCCAGGACCGTGAT  
CCGGTTCGGAGACAGTGTCAAGCGGGCAGTTTGACTGGGGCGGTGCCTCCCAAAGAGTAACGGAGGCGCC  
CAAAGGTTCCCTCAGGGCAACCAAGGGCTGGGATGCCTCAAGA

>trans\_c\_7185 AF199508|Fragaria x ananassa osmotin-like protein (olp) gene, complete cds

CAAGGCATTCCAACATCCTAGAAGTTCATTTTGATTGAATTGAGTGTTGATGTTCACTTATCATATGGAATACA  
TTACTCTTGGTGTCTTGGTTCATTAATAAGTGGGTTGGACTTTATCAGTACTTAGCGGCAGTAATGGTTGGGTG  
ATTTGGCCATATACTAGTTGCAATTGTATCACGACACG

>trans\_c\_7186 AL161536|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 36

GGGCGTCGAACAGTCAACTTTTGTTCATTTTCTAAACGAAACAGGGTGCCGATTTGGGATGTTAAGTTAC  
GATATTTTAATTCTTGACTGGTTGAGATGTGTTGGATGTAAAAGGCTTGAGGTTTCATCTTTTGGATCATTAGT  
GAGAGGCTGGCGAACCAGTGGAACATCTCAACTCACTAG

>trans\_c\_7187 FJ945948|Toxicodendron striatum voucher Wen 8712 (US) 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGAAGCACCCCTGCCGGCTGGAGGTAGGGACCAAAAAATCTAGGAGTAGCCACAGTCGTTGTCCGGGGCA  
CGGTCGCTGGCGTGAGCCCAGACTTGGGAGCGGTCACTGGCACAAACAGGAGAAAGGGGATTGTCAACAACG  
ACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACG

>trans\_c\_7188 L44124|Monomastix sp. (M722) chloroplast large-subunit ribosomal RNA (rrnL) gene

GCCCGGAAGGTGATTTGCCTGGAATCAAATACATCCCTTATGCCGCGATCTGGGCACTGTCTCAACGAGAGAC  
CCGGTGAAATTATACTATGTGTGAAGATGCACATTACCCGCGACAGGACGGAAAGACCCCGTGGAGCTTTACT  
GTAGCCTGATATTGAATGTTGGTGCAGCTTGACAGGATA

>trans\_c\_7189 FJ895899|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 ribosomal protein L2 (rpl2) gene, partial cds; chloroplast

CGTTTTCTCCCCTTTAGCCGGTGTAATTTTATACCCCTCTGGGGAGGTCCGTTTGATATCCAAAAATTGCTCAGC  
AACAGTCGGACAAGTGGGGAATGCTGGGGTAAACCAGAAAAGTTTGGGTAGAGCCGGATCTAAATGTTGGC  
TAGGTAAGCGTCCTGTAGTAAGAGGAGTAGGGCGTCCAAA

>trans\_c\_7190 EU002431|Manihot esculenta photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB) gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes, complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

TGTCCTGTCGTGTCGTCATGTCAGTGAGATCTGTTGACTTTGTATACCATTCCGTTGTAAATAAATGATCTTATT  
ATAGATCCATTGTGGTCTTGAAATTATATAATAATGGAAACAGCAACCCTAGAAATCCATCCCGAACTTGGTG  
GTTAAACTCTACTGCGGTGACGATACTGTAGGGGAGAC

>trans\_c\_7191 EF584577|Mida salicifolia isolate 4233 18S small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

ACAATGTTTTGTCCACATGGAGCACATATGAGCATCAAAGCTTCAACATATCTGTGGTAGCAGGTGCGACTGG  
CCCGTTGAGTCTACGGTCACGCTGGTTGCCATGGCGGAAGAAGCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACG  
AATGCCCCCGACTGTCCCTGTGAATCATTACTCCGATCCC

>trans\_c\_7192 NM\_116500|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein / beige-related (AT4G02660) mRNA, complete cds

ATATTAATCTCTTGTTGCGGGACTTGGAATATGGTAGATTTTCAAGAGTCCTCACTGGTTGAATTTCAAAGGTCC  
AGGTGACTTATCCACTAAATAGGCTTTCATTTTATAGGACTTGTTTTTATTCCACTGATTTGATCTCCTTATCA  
ATGAGAGCGAGAGCGGCTCGAGATAGAGAGAGAGCT

>trans\_c\_7193 NM\_126751|Arabidopsis thaliana hydrogen ion transmembrane transporter/hydrolase, acting on acid anhydrides, catalyzing transmembrane movement of substances (AT2G07707) mRNA, complete cds

ATCGTATGATTCTGGTTATGCCTTTTCTTCTTGACTTTCTATATTTTCATATGCAATGATGGAGATGGAGTACTT  
GGGATCAGTAGAATTCTCAAACCTACGGAACCAACTGGTTTCACACCGGGGGAAGAACATACGGAGCAAGGAC  
CCCAACAGTTTGGAAGATATCTTGAGAAAAGGTTTTAGC

>trans\_c\_7194 AY664419|Zea mays cultivar Mo17 locus 9009, complete sequence

TGTTATTCGGCGATTACTAAAATCAAGGAGTATATCCCCTCTCCCTATCGCAGCTTCGCACCTCTCGCTTTAGTA  
GCTAAAGCAGCTTCGCACCTCTCAAGAAAGAAGAAGATCAGCTGAGCTTTTTCTCTGATTGACCGATAGTCG  
GACTGATTTATGGAATTCATTGGCCCTTGTTACAAG

>trans\_c\_7195 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGACTCTGACCCGCGTGCCTGTTGAGAGGCAGATTAATAGTCTGCGAATGACAATCCAACCAAAAAGCTCCCT  
CTTCTGAAATCCATTGAGGAGACTCTGCTGGCAGAATCGAACCCCCAAAGACCAGTCTTCTCTCATGGAG  
AGTTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGAGG

>trans\_c\_7196 3BBO|Chain A, Homology Model For The Spinach Chloroplast 50s Subunit Fitted To  
9.4a Cryo-Em Map Of The 70s Chlororibosome

AACACACCTTTGCGGAGACCTGTGTTTTTGGTAAACAGTCGCCCCGGGCCTGGTCACTGCGACCCCTTTGTGA  
GGAGGCACCCCTTCTCCGAAGTTACGGGGCTATTTTGCCGAGTTCCTTAGAGAGAGTTCTCCCAAGCACCT  
AGGATTCTCTCTCGCCTACCTGTGTCTAAAAACGCCATG

>trans\_c\_7197 AF213399|Nicotiana tabacum SLT1 protein mRNA, complete cds

TGAAATGGGAGGTTCTAGACTTACAGCTCTTACAATGGAGAGTCATCACCTTCCACACTCTTGTCTATGGATT  
CCAGCGCTTCTTCTCATGATGAATTGGATTGGAAATGAATCGCCAAGTCGTACTTTTGCGCCCGCCGGATATC  
AATCTTCCTTTGTCTGCTGAGCGCAGCCACCGCAGCA

>trans\_c\_7198 AJ506156|Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

AAAGGGGAGGAGAATTTGCAAGCTTTTGTTCGTTTCGAACTCTTCTTTATTTAATTGTTTCATTCCTTTCTA  
CAGTTCTGAATCTGCTAACTATTTGATAAGATTGCCTGTGGACCCAGAATTCGATCTAACAAAATATAGTCA  
AATCATCAAGTTTGCTACTTTTGCTTACGCAGATGGT

>trans\_c\_7199 NM\_100323|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT1G04430) mRNA, complete cds

GATCCATTTTTGGCAACCAAGATTCGGCTCTGCAGCATGGGAGCAAGTCATTAAGCCATTATTTGATGGGGAA  
CGAAGACTCTGAAGAATCTTCAACAACAACCGAGCAGGAAGACGCAGATGATGATGTCATACCAAAAAGTTA  
CCCGGTTTGTGATGACCGGCAAAGCAAATTGGGGGGGTGCC

>trans\_c\_7200 EF177192|Rosa chinensis eIF5A mRNA, complete cds

TCCACGATGGTAGTGACACTCTCCCATGGAAGACATCACCGACACGACAAGGTCTCCCTCTTCAGCAAATCCCT  
CCTTAATCTGTTTGAGCAGGTTATCATCAGTTGGAAGTCTCAAATCATCCTTGGTATCACCACTGTCAGTTAAA  
AGACTCACAAATCCATCCTCAGAGATATCAATCAGCT

>trans\_c\_7201 HM003688|Passiflora morifolia TCP1 (TCP1) mRNA, complete cds

CTCCATTTTCATCAGCAAATTGAAAAAGTATCCTCCTCCCCTCCGATCTTGGAGGTGAATTTGATCCTCCACAAA  
CGTTGTACTCAGCAGTTGAAGGACGAGCGGATTCTTGTGAAACCGAGGACGAAATTGAATCCAACCTCCAGAG  
GTGAATCCGGGTCCGAGGATTCATATGGGTCCGCCACT

>trans\_c\_7202 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

CGACACAGCGTGGGAGCTGGCCATGCCCCGAAGTCGTTACCTTAACCGCAAGGAGGGGGATGCCGAAGGCAG  
GGCTAGTGACTGGAGTGAAGTCGTAACAAGGTAGCCGTACTGGAAGACAGGGAGACAGCCCACTACGCCTT  
GGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTCACTTACGA

>trans\_c\_7203 Z82983|C.sinensis thi mRNA

ACGATCATGAGCAAGCTCTTGGCCCCGGCCGAACGTGAAGCTTTTCAACGCCGTGGCGGCAGAGGATTTGATC  
GTCAAGGGCGGCAGAGTTGGCGGGGTCGTACCAACTGGGCTCTTGTGTCAATGAACCATGACACCCAGTCC  
TGCATGGACCCACGTGTGCAACAATCAAGGTGTGGTGTTC

>trans\_c\_7204 NM\_001056466|Oryza sativa Japonica Group Os03g0314100 (Os03g0314100)  
mRNA, complete cds

GAAGATTGTGGTCTCCACAAACATTGCAGAGACTTCGTTGACCATAGATGGCATTGTTTATGTTATTGACCCTG  
GCTTTTCAAACAGAAAGTTTATAATCCTCGAGTACGTGTGGAATCATTATTGGTGTCTCTATATCGAAGGCT  
AGTGCGCATCAGAGATCTGGTCTGTAGTTCCTCCAGA

>trans\_c\_7205 EF177192|Rosa chinensis eIF5A mRNA, complete cds

TCCACGATGGTAGTGACACTCTCCCATGGAAGACATCACCGACACGACAAGGTCTCCCTCTTCAGCAAATCCCT  
CCTTAATCTGTTTGAGCAGGTTATCATCAGTTGGAAGTCTCAAATCATCCTTGGTATCACCACTGTCAGTTAAA  
AGACTCACAAATCCATCCTCAGAGATATCAATCAGCT

>trans\_c\_7206 EF595935|Cucumis melo isolate 2007-B28 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence;  
chloroplast

AAGCAAAACAAAATAGCTATTAACAATGTCTTTGGTTTACTAGAGACGTCGACATCGTTTTTTTAGCTCGGCG  
GAAACAAAATACTTTTCCTAAGGATTATATTAATAGAAATAGGGAACGAAATAAATAACTGGAAAGATTGTT  
ATAATCTCCTCTTGCGCGAAAGCTATCTATAAAGTCCT

>trans\_c\_7207 EF672635|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 9 (FLA9)  
mRNA, complete cds

ACAAGTGAAGTGGCACCACAAATTCATTCCTAGGCTTAGCCGTCATCATTGGATTATCCCAAAAATCTCTCTAG  
GTAATAACACCTCAGAAACCCCAAAAATGGCAACCGGATTCTGATCAAACACCGTCTGAGTCACTGATGCTTG  
AACAATGCCTGTATTGATCCCAACTGAGCCATTCCT

>trans\_c\_7208 FJ458262|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-2931 mt- 16S ribosomal RNA (rrnS)  
gene, partial sequence; chloroplast

GCATGTTGAGCCGTAAGATAAGTGTAGTCTGAATTTCTTGGCGGACGCTCGCGAAATGCGGGTTATTATCCGG  
ACAACGCTTGCCACCTACGTATTACGCGGGCTGCTGGCACGTAGTTAGCCGTGGCTTTCTGGTTAGGTACCGT  
CAAGGTACTATCAGTTACTATAGTACTTGTTCCTCCTA

>trans\_c\_7209 AY366358|*Rubus chamaemorus* maturase (matK) gene, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

GGCTTTTAAGTGCGGCTAGCATCTTTTACACATTTCTATGAAGTAACAGATTCGTCCATACTATCGGTAGAGTT  
TGTAAGACCGCTCAGTCGAAGTCCCTTCCGTCCGTTCCCCCTACTACGTGATGCGGCCGTTCCCCGGAGCTGCC  
GCGGGGGCAAGGCAGCTATTAGGCCCCCAAACCCCT

>trans\_c\_7210 NM\_113713|*Arabidopsis thaliana* kinesin light chain-related (AT3G27960) mRNA, complete cds

TATTGAAGAGTCGTATGGAAACAAGTCGCCGAGGAGCGGGTTGAGTCTTCAGAGCCATGGAAGCGTTCATGT  
TGATTTCCCTGTTGATGGCTTGTTGATACCTCTATTGAGAAGCTTTATGAGAATGTTTGTGATATGCAAAGTT  
CGGATCAGTCACCTCTGGAATACGATCCCAAGCTCTCGT

>trans\_c\_7211 XM\_002877728|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* photosystem II subunit O-2 (PSBO-2), mRNA

TATGCAACCTCCAAGTTGGCCTCAAGGACTACCACCTCTCAACTCAGATCTTCTCAATCCCTTTCTAAAGCTTT  
TGGCCTTGAATCTGCCGAGCTAGACTCACCTGCTCTTCTACTCCGATCTCAAAGACGTGTCTCGAGGACCCA  
TTAGCATCATCGGAGCCATTAATCCTATCTCCCAAG

>trans\_c\_7212 AF243180|*Lycopersicon esculentum* dicyanin mRNA, complete cds

CCTGGACCTCGGTCTCCGCCCTCTTCCAGCGTTCCTCCACGAACCCAGCTCCAGGACGAGCTCCGGTGACCCA  
TGTCGTCGGTGACACCTTTGGGTGGGGGATTCTCAGGGCGGCGCCATGTTCTACGCCAACTGGACTGCCGG  
ATTTTCGCCTGCTACCCCGCTGGAGATAGTGGGACCCCC

>trans\_c\_7213 FN563095|*Mamiella gilva* plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain PLY 197

CTTCGGAGTTCACGATAATGGAATGAGCGGCGGACGGGTGAGTAACACGTAGGCAACCTGCCTGTAAGACTG  
GGATAACTCGTGGAACGCGAGCTAATACCGGATAACACTTTTTATCTCCTGATGAGAAGTTGAAAGGCGGCT  
TTTGCTGTCACTTACAGATGGGCCTGCGGCGCTATAGCTA

>trans\_c\_7214 DQ317996|*Pterostyrax psilophyllus* rps4 gene, complete cds; chloroplast

CGATCAATGATAGATGAATGATAGAAAAATTTCCGGATCAAAACCTTACTTTCCAAGCCAGAGAAATGAATCT  
CTTCGGCGAAGGGGAGGACGAAATTGTCCGAACCTTGTTTTTAGTTAGGTTTAAGTCTGACGAGAATAATA  
TTCTACAACGAGCAATTCATTTATTTTAACTGACCC

>trans\_c\_7215 Novel Gene

ATTGATAAGGACATATTAGCTTTCTGGCTTTCTTTGAAGAATGTAGATGTAGAAAAGATGGAACCTCAAAGAAT  
AGGTTGAATGAGCAACAAGAATCTCCAGACTGAGTACGGTTATTCGCTCCAACTACAATCAAACCTCCAATAA  
AACAATAATCAAACTCCAAAGGGGCCGACCACGTGTA

>trans\_c\_7216 EF382356|*Cucumis sativus* stachyose synthase mRNA, complete cds

AAATCTTATTGATTTTTTCAGATGGGAAGATCAGTGTTAAAGGAGTTCCAGTGCTGTCAGAAGTCCCAAACAAT  
GTCTTTTTCAGTCCTTTCTCTTCGATAAGCCAATCCTCTGATGCACCACTTCCTTTGCTCCAACGTGTGCATAGTC  
TGTCCTGCGGAAATAACGGGAGGTTGTTCGACCGT

>trans\_c\_7217 DQ371902|Glycine max circadian clock-associated FKF1 (FKF1) mRNA, complete cds

TCAACAACCAACATGGAAAGAAATCTCTGGTGGAGCTCCTCCATTGCCTAGATCCTGGCATAGCTCCTGTATG  
ATTGAAGGCTCAAACTGGTAGTCTCAGGTGGATGCACAGATGCCGGTGTGCTTCTCAGTGACACATACTGTG  
GTTTCGAGCCACCACTCACCTAACCACGTTGAGAGTCGT

>trans\_c\_7218 GU397087|Begonia aspleniifolia voucher Glasgow Botanic Garden 00107997 tRNA-  
Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

GATTAATCTGCAATTTTGATATAATCACGAACTACGCGGGAAGGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATTTTTT  
TCTAAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATA  
AAGAGGGGGGGGAACCCCGAAAAAGAGCGAAAAAAC

>trans\_c\_7219 DQ086327|Symplocos wikstroemiifolia voucher Ye HSD S015 tRNA-Cys (trnC) gene,  
partial sequence; PetN (petN) gene, complete cds; and PsbM (psbM) gene, partial cds; chloroplast

GAAGTAGCTGTCGAGTCGGACATTAGTAGTACTTCTAGAGTCCACTTCTTCCCCATACTACGAGGGGAAAGAGA  
AAATGTAAAGACTACCATTAAAGCAGCCCAAGCGAGACTTACCATATCCATGTGAATTATGTCCCCTATCTCTA  
TGAATATAAAAGAATTATTCCATTATTGCTCACTAAT

>trans\_c\_7220 X60216|G.max mRNA for beta-tubulin, partial cds

ATTACAATGAAGCCAGTGGCGGTAGGTATGTTCCCTCGTGCTGTTCTTATGGATCTTGAGCCTGGAACCATGGA  
TTCCGTCAGATCCGGACCCTATGGCCAGATCTCCGTCGCCGATAACTTCGTTTTTGGTCAGTCTGGGGCTGGCA  
ATTTAACCCGATTCCCTGTGATTACTGGGAAGGCTGA

>trans\_c\_7221 FJ617476|Solanum lycopersicum cultivar Merveille des Marches lipoxygenase (loxF)  
mRNA, complete cds

TTTACTGGACGTGCCCTCGCTAACTCGTATAAAGGAATATGTCGCCTTCTCCAATCCCGTTACAGGATCAACCT  
CAGCACTGACGAGCTCCAAATAATCGATTTACAAAAAGATCAGCAATTCATCAAGCCCTCGTTCCAAATAC  
AACCCAGTCCCTAAACTCTTTTTACTGTCACGAAA

>trans\_c\_7222 AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA  
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

TGTTTTACGCCCCGTAATTCTTCCTCAGCCAGGCTCGGGCAGAATAGCAGAGCAAGTACAAGTATTAGTAGAA  
TAGCAAAAATGTGTTCCCTCGTCTAATTATACAAACGAGCGCCTAATTGTGACCTCTCGGGAGAATCGATGACT  
GCATCAAGATGCACTTGCTAGTACTAGTACATCTGAG

>trans\_c\_7223 GQ998593|Plumbago auriculata voucher FLAS:M.J. Moore 306 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 3 protein (ndhC) gene, complete cds; chloroplast

GTCCGTAGGATTGTCTGGCCATCTGAACTTGCTTGGGGGTGACTTGCTTCAGAGGGGAGGGCGAATGTTTAC  
CGTCTGGGGTCGTGCGGCTTTTGCGAATGAGGGCGCTCCTAGGGCCGGGGCGTGCTTATCCTAATTGTGCGTT  
TAGTTTATGCATGGCGTTTAGGAGCATTGGACTGGTTC



>trans\_c\_7224 GQ997298|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 acetyl-CoA carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

AGCGGGAACAAGGACAGCACAAATAGAACTATAAATGTAAGTGTCACTGTAATTGTGACTACCACTTAAAATG  
TAACTATCAATACAGATTTGAGTCCAAAAGATAACTGTCAATGCAACTATTAATGTGATTTTTCCAACAACGACT  
CTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAG

>trans\_c\_7225 NM\_102773|Arabidopsis thaliana ERD4 (early-responsive to dehydration 4) (ERD4) mRNA, complete cds

CTGTATGCGAAGAATAAGCCATCCAAAACCACTATTATGACACCGAATGGAACAATCAGAGGTGTTATGATG  
GAGTAGCAGAGGACTATAGTAAAAATGAGCAAGTCACCGGGAATTCTAGTTCCATAGCCAAGATCTCCAGGA  
GTCCAGGCATCCTTCACATCAGCTTCACATTTGCAAAGA

>trans\_c\_7226 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTAAGAGGTCTAATGAAATGAGATTGTCATGCACCACTCT  
GATGATATGTGCTGATAAGTTTCTCTAAACCCATTGATAGTGATCTTTCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCA  
GGATGAACGCTGGCGGCATGCTTAACACATGCAAGTC

>trans\_c\_7227 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CCTCATGGGAGCGAACTCCAGGCGAATATGAAGCGCATGGATACAAGTTATGCCTTGGAATGAAAGACAATT  
CCGAATTAGCTTTGTCTACGAACAAGGAAGCTATAAGTAATGCAACTATGAATCTCATGGAGAGTTCGATCCT  
GGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGAGGAAACACATGC

>trans\_c\_7228 EU583459|Populus trichocarpa histidine kinase 3B (HK3B) mRNA, complete cds

AGAAGCCTTGGAAGTATGTGTGATGAGAGAGCTAGGATGCTTCAAGATCAGTTTAATGTTAGTATGAATCAT  
ATTCAAGCAATGTCCATTCTCATCTCTACCTTTCATCATGGCAAGAACCCATCTGCTATAGATCAGAGGACCTT  
GCGAGATACACGGAAGAAGAACTGCTTTTTCGAGGGGA

>trans\_c\_7229 EU410077|Brassica oleracea ACCase beta-CT subunit (accD) gene, complete cds; chloroplast

TCCGATAAGTTTGTCCGTGTCCATTTATAAATAGATATTCCAGTAGCAATTGGGGTTATGGATTTTCAGTTTATA  
GGGGGTAGTATGGGATCCGTAGTAGGAGAGAAAATCACCCGTTTGATCGAGTATGCTACCAATCAATTTTAC  
CTCTTATTTTAGACACATAGGAGGGAGCTCGTGCGT

>trans\_c\_7230 X69140|O.berteriana mitochondrion DNA for ribosomal proteins S3 and L16

TCTCTTCCATTCTGACTTCTGTAGGTTTCCCGGTAATAGGGAGATCTGCGAAAACCTCTGACCCATATTTGACC  
ATTTCTTCGGAATTGTCCGCTCATAGCACGATGGAATTGTCCGATTATAGCCCGACGCGCTGCTTCAATGGCTC  
GATATGAAAGACGACCAGCTCTACAACTTTGAATG

>trans\_c\_7231 GU397109|Begonia polygonoides voucher Royal Botanic Garden Edinburgh 20000756 tRNA-Lys (trnK) gene, partial sequence; and maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

CTCTAATTAGACGTTAAACTATATTAGTGCTTGACGCGGAGGGGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATT  
TTTTCTAAGTCCTAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTG  
ATAAAGAGTTTTTTTCCAAAATCAAAAGAGCGATTA

>trans\_c\_7232 X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

TTCTCCCATGCCTTTCTTGGCTGGACCAACCCAACCGGCGATTTCGACAAGTCTTCTTCATTTTTCTTGAAAG  
AAGCGGAAGTAGACTCAAATTCTTTGAGCCTTATGGATAACCAATTCATTTTCAAATATAGTTGGGAGACTCTC  
CCCAAGGGGCAAACCTGGGTTTTCTCTTTCTAAAC

>trans\_c\_7233 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

TGGTGGGGAAGTTATAGACACCTTTCCTTATTTTGTGTCTGGAGTACTTCACTTAATTCCTCCGCAGTATTGG  
GTTTTGGCGGTATTTATCATGCACTTCTGGGACCTAGAGTCTTCATGGGGCAATTGTCACTGCTTATGGACCCG  
AACCTGGGTGATCTATCCATGACCAGGATGAAGCT

>trans\_c\_7234 NM\_001060121|Oryza sativa Japonica Group Os04g0567200 (Os04g0567200)  
mRNA, complete cds

GTTGTGTGGAGTTTAGGCGGGTGGGACTCCCCCTCACAGTGGAAAGCATTCCTCTGCAAGGGAAGCCAGAAG  
GGGTATCAGGAGACTTGAGGTCGGCGGTATGTTTCAGAAAGACAAGAGCGTCGGAAAGGGAGGCTGCAAG  
GAAGGAGAAGGCGAAGAAAAGAGGAAGAACCATCATCTTCT

>trans\_c\_7235 NM\_001058176|Oryza sativa Japonica Group Os03g0807200 (Os03g0807200)  
mRNA, complete cds

GTGGGATCCCAAGAAAAAGTGAAGCAGAAATCACACAGCGACCGCTCCGAGATCCGATTTTCTTCCGTAGACT  
GCCGCATAATCGCTCGGAGATCTCTGGGTCTTTGTTCTAGGACACCGCAGACGCTTCCTCTTTCCCCACTGTA  
AGAAAACCTCCGGTTCAGAGCCTTACATCCTCTCT

>trans\_c\_7236 AB211830|Cryptomeria japonica gene for pollen allergen, complete cds, isolate:  
Kita-kabahara1

TCTGATCTTGATCAATCTCTGAATGCATGTCTTAAGCAAATGATCTGAGATCAACTCATCCTTTCAAACCTTGGCA  
ATTTCTCGGCTTTTTTCTTGCATTTTCTTAGTTTTTCTCATCTTTCTATTTAACGAAAATAGAGTTCAAATCAGG  
CATTTGACTTGAAAAGTTGCTTCTTCCCTATG

>trans\_c\_7237 AF111779|Cochlospermum vitifolium NADH dehydrogenase (ndhF) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

TCCTTAAATTATATGAAAAATATGGAATATACATATCAATATTCATGGATCATACCGTTCATCTCACTTCCAATT  
CCTATCTTAATAGGAGTGGGCCTTCTACTTTTTCCGACGGCAACCAAAAACCTTCGACGTATGTGGTCTTTTCC  
GAGTATTTTATTGTTAAGTTATCATATGATAAAA

>trans\_c\_7238 NM\_001049038|Oryza sativa Japonica Group Os01g0232400 (Os01g0232400)  
mRNA, complete cds

GAGCCCGGTTGTCAAACAGAAGGCTCTTAGGTTGATAAAGTATGCAGTTGGGAAGTCGGGTGTGGAATTCCG  
AAGGGAAATGCAGAGGAACTCTGTGGCTGTCCGCAATTATTTTCATTACAAGGGACAACCGGACCCTCTTAA  
GGTGATGCACTCACGCCCTAGTGTCTTCGCAGTAGAC

>trans\_c\_7239 M81725|*Oenothera berteriana* NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
1-2

AATGCTACTTTTCATTTTGCTCATTTCATGGAGTTGTATTTAGTACCTCTAAGAAAGATTCTTATCCACCGTTAGTC  
AGTAATGTGGGTTGGCTTGGATTACTTAGTGTTCTAATAACCTTGCTTCTGCTCGCCGCTGGCGCACCTCTCCT  
AACTATTGCCCATTTATTCTGGAATCATTTTTTG

>trans\_c\_7240 M81726|*Oenothera berteriana* NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
3-5

CACGTGTTTTTCATCTGCGCCCAAATCCGCTATATATTTGACACGGGTTTGCCGTAATGCTAAACTATGGCGAA  
TGCATCTATCGTCATTAATACATAAATCAAGATACCAATTAGTAGTGATTGAATTCCTTCTATGGTTCCACATGA  
AAAACCAAAACAAATATAACCTACATGTCCAATT

>trans\_c\_7241 X04465|*Marchantia polymorpha* chloroplast genome DNA

ATGCGTACTAGTCTCCGCGAGATGTGAGTAAACGAGTCCAGGTGCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGA  
GACTCACCCGAGATGTAGCAAGAGCGTGGAGGTTTCGAGCGTAGAGGAACACACCAATCCATCCCGAACTTG  
GTGGTTAAACTCTACTGCGGTGACGATACACATCCCCTC

>trans\_c\_7242 M36377|Melon 17S rRNA, 5.8S rRNA, and 25S rRNA gene region

ATCACAGCATTGTTGGTCGTC AACCTCGGTGACGCGTCTCGACCTCGACGTCGACTTCACGGACTCCTTCACGA  
CCCTTCGAACGCCGCCCTTAAAGGACGACGCTCTCGACGCGACCCAGGTCAGGCGGGACTACCCGCTGA  
GTTTAAGCATATCATATTCGCGAGGAAAAGAACTTA

>trans\_c\_7243 AB359913|*Solanum lycopersicum* LeGAD1 mRNA for glutamate decarboxylase  
isoform1, complete cds

AGAAGATGGGAAGGTTTGATGTTGTTTCCAAGGATGTTGGAGTGCCCCTGGTAGCCTTCACACTCAAAGACA  
GCAGTAAGCACACTGTGTTTCGAGATATCAGAGAACCTGAGGAGGTTTGGATGGATTGTGCCAGCTTACACGA  
TGCCTCCAGATGCTCAGCAGCGCGCACACTCATAGACAA

>trans\_c\_7244 XM\_002866076|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* heat shock protein 81-4, mRNA

CCGCTTCCACTCTACCAAGAGTGCGGATGAGTTGACAAGCTTGAAGGATTACGTGACCAGAATGAAGGAAGG  
CCAGAACGATATCTTTACATCACTGGTGAAAGCAAGAAAGCAGTAGAAAACCTCTCCTTTCCTTGAGAAGCTC  
AAGAAGAAGGGTTACGAAGTTTTGGGACGTTGGTGTAT

>trans\_c\_7245 AY254349|*Nicotiana attenuata* lipoxygenase (Lox3) mRNA, complete cds

CAGGAAAACATATGCAACTCGCACAATATTCTTCTTGACACCACTTGGAACCTCTCAAACCTATCGCCATAGAGC  
TCAGCCTTCCATCAACTGCACCAAGTTCTCGATCAAAGCGTGTCTGTAACCTCCACAGTCGACGCCACAAGCAAC  
TGGACATGGCAGCTCGCCAAGGCTCACGTCTGCTC

>trans\_c\_7246 Novel Gene

TGAGCCCCGAGTTAACCTAATGATGAAAAGGAGTCTCAATAAATGTCTAATAGGTCAACGGTTCAATCTATGG  
TGATTACATAAGAATTAAACACCAAAATGTAGTAGGATCAGGTTCTAAGATTAGTTGAGGTGGGCATGAGTTG  
ACTCGGTATCTCACGGATGCGAAAAGAGGGCTGTATC

>trans\_c\_7247 tpg|BK000082.1| |TPA\_exp: Oryza sativa (japonica cultivar-group) cellulose  
synthase-like A4 gene, complete cds

CAAATGAACCATCTGCTCAGATAGATACTAACTGGCAAGTAAAGAATGCTTGGTACCTGAGACAGTATCCAT  
GCCGATATCTTCTTCAAAGGAAGTCTCGCCACAGAAAACATTTAACAAGAATATTATTCCAAAGTCAAGTCCAG  
CAGTAAATTTACCTACATTACCCAGTGCATGTCCAC

>trans\_c\_7248 AB525646|Jatropha curcas DNA, microsatellite marker JCT10

GAAGTGATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAAGTGGGCGTCTTCTCGGAAGATGC  
GACCATGATGCGGACCGAAAAGCTTTAAGCTACTGGGGATTAATTTGGCCTCTGATGGTTAGAAGAAGAAG  
ATGCCTTGCTTAACATTTCTACAAATGTCAGCCTGTCC

>trans\_c\_7249 Y15108|Glycine max tufB2 gene

TGTGGAAGTATTATGCCTGTGGCTTGTGAACAAGGAATGCGGTTTGCTATCAGAGAAGGTGGAAAGACTGT  
TGGTGCTGGTGTGATTCAATCAATTATCGAGTGAGTGATAGGAAGACACAACCTTAATTGTGGAAACCAATCGA  
AATGTTCTTTACTCCTTTTAAAGTTAGGAGCCCGGGT

>trans\_c\_7250 DQ864495|Camptotheca acuminata hydroxymethylbutenyl diphosphate reductase  
(HDR) mRNA, complete cds

ACTTTTATCAGGTAAATTAGTTGAAAGAACTATGATGCGGAAGCACGGAGTTGAAAACGTCAATGAGCACTTC  
CTCAGTTTCAATACAATATGTGATGCTACTCAAGAGCGTCAAGATGCAATGTACAAGCTAGTAGAGGGAAAAC  
TGGATCTCATGTTGGTGGTTGTCAAGTCCTTCAGAT

>trans\_c\_7251 AY315428|Beta vulgaris subsp. vulgaris xyloglucan endotransglucosylase (XTH-1)  
mRNA, complete cds

AGTTTGTGGAATGCAGATGATTGGGCACAGCTCTTTTTTGGTGTGAAGACTGATTGGACACAAGCCCCTTTCA  
CAGCATCATACAGAACTTTAATGCGAATGGGTGTGTTGCATCATCTGGGTCATCATCTTGTGGCTCTAACGG  
GGATCTGCTGGGCACCTTGTCTGTGTTTGTGGTGA

>trans\_c\_7252 GQ998273|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 ribosomal protein  
S11 (rps11) gene, complete cds; chloroplast

CAGCGGGGGCGCCCCGGATGTCGCATTATGTGGCATAGGGGTTACATCCCGTATGAACTTAATAGTATACC  
GCTTCTCCGAATAGCTCTTAATGCTGCATCTCTTCCGAGACCGGGGCCCTTATCATAACTTCGGCTCGTTGCAT  
CCCTTGATCCACTACTGCCCGAATAGCATTTCT

>trans\_c\_7253 GQ998220|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 acetyl-CoA  
carboxylase carboxyltransferase beta subunit protein (accD) gene, complete cds; chloroplast

AGAGGCTATTCAAACAGGCACAGGTAAATATTTATGATATTCCAGTAGCAATTGGGGTTATGGATTTTCAGTTT  
ATAGGGGGTAGTATGGGATCCGTAGTAGGAGAGAAAATCACCCGTTTGATCGAGTATGCTACCAATCAATTTT  
TACCTCTTATTTTAGACACATAGGAGGGAGGAGCT

>trans\_c\_7254 DQ790113|Heisteria densifrons small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

ATAGTGAATTTAAACGGCTCCCCTTTATTCTATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGA  
GGAATTCCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAG  
AAGCAATCGTGAATGGTCCAATAAGTGTGATTA

>trans\_c\_7255 Novel Gene

AGAGATCGTCACAACTATTCTACCATCGGGTTTAACGTGGAGACGGTGAATACAAGAACATCAGCTTCACT  
GTCTGGGATGTGGGGGGCCAAGACAAGATCCGACCATTGTGGAGGCATTATTTCCAAAACACCCAAGGACTT  
ATTTTTGTGGTGGATAGGGATGGCACTCTGGCACAAC

>trans\_c\_7256 XM\_003081902|Ostreococcus tauri digalactosyldiacylglycerol synthase (ISS)  
(Ot11g01480) mRNA, complete cds

AAGGAAGCTGACTGGGGCGAGTACCCGATTCACACCCGGTTTCATTGCATCTCTGTACTCAATCCCCTTATCTG  
TCTCCCAGAACTGGCCTTATCTGGGGTCATTCATCGCTGTGGAATTCTAGACCTCCCTGTCCGGGGGTATATAA  
GCTTGGGGCCCTCTTTTTTCCGAAGGCAAAAGG

>trans\_c\_7257 Novel Gene

GGGTGACCCAAACCCGGTCCCCGGGGCCCCCTCGCCAAATAGAATTGCTTTATCAATGATTCGGTGAATGTATC  
TATGTTCAATTCGTGTGTGTACATGTATGAATCAAATTCATTTCTAGGATGGGGCTCATCAATTTAATTAGG  
GATCGGTCGTATGATGAAACAATTCATTGCATTGA

>trans\_c\_7258 XM\_002876298|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger (CCCH-type) family  
protein, mRNA

ATTGACATGACATCAACCTTGCCTGTTTCAATTAAGTACTTGACAACCTTGGAGCTTCCAAACATGGCAGCAAT  
CATCAACGGAGTTCTTTCTTCAAAGCCCATCTTCTTTGACCCAATTCCTCTTCCATACCAGCAGCTCGGCTCATC  
AACATCCAAATCCTTTTCTTCAACCTCTCTCTT

>trans\_c\_7259 GQ463739|Plukenetia volubilis voucher Armbruster 20 Dec 1991 internal  
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete  
sequence

GAAGGCGGCGATGGCGGATGAGCCGGCACGTGGGTCTCCTGAAGCCAAGCAGAAGTATGCTCCATAGACAC  
AGTGTTACGGATGACGGGCATAAACGGCGTTCACATTTGAAGAGATGTATTTTTTTCTCTGTTGTCTTTCTTC  
TTCTTGCTATTAAAACCTTCCC GGTTGGGACTC

>trans\_c\_7260 FJ475351|Phyllostachys edulis cellulose synthase (CesA4) mRNA, complete cds

ATTGCGTAAGATATCCCTGCTACGACCCCGACCAAGTTTACGATGAGGAGTGTAGTTGGTGGGATGAGAAGT  
GTCGTCCATTTAAACATGTAAAGCTCAGCATAATCCCCCTCTTCATCAGATGCCTTGGATGTCACAGTAAAGT  
GGTGTCATACCGCAAGAACCTTAAGCAGACCTTG

>trans\_c\_7261 GQ998805|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C clp protease proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

TTCAATTCCGATGTCATTTTCTTGTTCCAAAATGGTCTTCTTCAATTCTTTTAGGTTTATGCTCTACTCCGAGTCA  
AGATCTGCCCCGATTTGGATTGTCACATATAGGACAACGTACATTTACCACGTGCGTTAGCATCCGCAGGGACC  
ATCGCAATGCTTTGTTTAAATTAACAGTCGGA

>trans\_c\_7262 AF479165|*Justicia americana* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATATAAAGAAGCAGACGCGGGGCTGGCTCTTGCCCCGACGGCCGGGTATAGGTCGCGCGCTTCAGCGTTGC  
TTGCCCTAAAATCGACCAGCGATTACTTGTGACCACGTGTGTCTCTTAGCGGATTTGACTTCCATGACCAC  
CGTCCTGCTGTCTTAATCGACCAACACCCTTTGTGG

>trans\_c\_7263 EU650386|*Coffea arabica* 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal  
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete  
sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGAAGGCTCCGGGCGCAACTTGCGTTCAAAGACTCGGTGGTTCGCGGGATCCTGCACGCCGCGGAGGGGTGA  
CCTCCGCATAGCTAGTTAGCAGGCTGAGGTCTCGTTCGTTAACGGAATTAACCAGACAAATCGCTCCACCAAC  
TAAGAACGGCCATGCACCACCAACCATAGAATCAAGAA

>trans\_c\_7264 NM\_001070156|*Oryza sativa* Japonica Group Os09g0508000 (Os09g0508000)  
mRNA, complete cds

CCAAGCGAGTTTAATGGGAAGTTCATCGTCGCTTGCAACGTTCTGGATACAGAAGCACATCTGGAGAAATA  
TCGATAAAATCAAGACAGTCAAACATTTGCATTTACAGCTTAAACCCGTTGAATTACAAGCCATCGACGAGAG  
ATGATATCTTGTGTGGGAGCATCTCGTCTGATCTG

>trans\_c\_7265 NM\_001054418|*Oryza sativa* Japonica Group Os02g0708400 (Os02g0708400)  
mRNA, complete cds

GGCCATCGGTCACGTACGAGTACCGGAAGCTCGATGGCAGGAATCTCAATGGAATGCTCCAATAGAGGTATA  
GCCTCACTGTACTGCCCTAAGCTGCAGTATATTGCTGCTGTGACGTGCAAACACATAACAAGTTCTAGTGACGC  
CCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGG

>trans\_c\_7266 AF124160|*Arabidopsis thaliana* molybdopterin synthase sulphurylase (cnx5) gene,  
complete cds

TGATGCTTGCGATGGAAATTTGTACCATTAAATCATAGCTTTGCATTCTTGCTTTGATGATGGGATGAGGTG  
TTAATGCTACCAAGTATCATATCTTATTTTCACTTCTGAAGGTCACAACTTTGAGCAATGCTCTCATTCGAAAG  
AATCGACATCGTAAATAGTTTTACCCCCACAA

>trans\_c\_7267 DQ001749|*Cucurbita pepo* voucher P.M. McNutt 015 (FLDCI) 16S ribosomal RNA  
gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GACGTCTCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGGGCCATCCTGGACTTGAACCAGAGACCTC  
GCCCCGTGAAGTAAATCATCGCACCTACGGTCCAACCAATTGGGAGAGAATCAATAGATTCTTTTCGGGAGCG  
ATTCATCCTTCAGCCCCCACTTTCGTTCTTGATTA

>trans\_c\_7268 GQ997320|*Ilex cornuta* voucher FLAS:M.J. Moore 308 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit K protein (ndhK) gene, complete cds; chloroplast

TCGGTGTTTTACTACCAAAGTGTCACCAACATGTTGGCCCAAGTACTAATACTGGAAATTACGATCAAGGATTA  
CTCTATCAACCATCATCTACTTCAGAGATCATCCCTCCTGAACTTTTTTCAAATACAAAAGTGCAGTCTCTTCCT  
ACGAGCCGACGCGGGCTATTACGCGTGCCCC

>trans\_c\_7269 AY819056|Annona reticulata isolate Taitung-010 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

CTAAGTCTCCATTAGCAACACACCAAAGGAAGGCAGCAGGCGCGCAAATTACCAATCCTGACACGGGGAG  
GTAGTGACACGCCCCGCCACATACCAAATCAGGATGACTCAACGGCCAAGGCAGACGTGGCTCGGGCTTTCCG  
GTAGAAGCTGGCCACCTTTCCAAACAATTCTAATGCT

>trans\_c\_7270 U79733|Beta procumbens nematode resistance (Hs1pro-1) mRNA, complete cds

AATCTTGATTACGACCTAATTTGTAAGAACAAACGAGCTTCATTCTCTGAGGAAGAGTCCGTACGAACAAATC  
GAAAATTACGAGAATCAAACGGTTTACACAACGCACCAGATCCTGGAGTCGGTTCGAATGAGGCGGCGGAAC  
CGGCATGTCGTCGGAGAATGTGTCTCACGTCTGTGT

>trans\_c\_7271 Novel Gene

TCAATAACTTGTTGATCCCTATCCCCAGATTTCAAATTTATCGTTTTTAATTTCTTGGCTTAGTGTGAGATCGA  
AATATACCTAACCTAATCTTAACAATGAGTGAATCAATGAGTGAAAGTATGAGAAATGGAGTTTAATCCTGTTT  
ATAGCATATGGCAGACCAATGAAAAAAGGGC

>trans\_c\_7272 GQ998241|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 cytochrome b6/f  
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

ATAATTAAATTAAGCCCTAAAGTTAGGGATTTATCAATCGGTAATGTTGCTCCAATACCCAACCAAAGAGCT  
ACTGCGGTACCAATCAAAAAGACGGTTGTCGCTACTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCC  
GCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAACTTCA

>trans\_c\_7273 Novel Gene

GTGTTCAATCATCAAAAGCCTTTACAGATAGTGATGTGTGTGCGATTAGATGTATGAATTGAATGAAAGAGGA  
GATGATGGTAGAGGTGGAGATAAGAAAAGGCTAATGACGAACAAAGCCAACTGCACCTGTTCAATTCATAGT  
GATTTTCCATCATTGGGCAAATTCTCCGTCACCCGT

>trans\_c\_7274 AP009373|Draba nemorosa chloroplast DNA, complete sequence

TTTGTGTATACCAATGGAGGAAATAAATAAAAAATGTGGAAAACAAGACAGGGATTCTCTACAATAACACTGT  
AGACCAATTGAAAGGGATGTAGCGCAGCTTGGTAGCGCGTTTTGGGGCGGTACTTTATGTCACGGGTTCAAA  
TCCTGTCATCCCTACCATAAAGCCCAATGGTGACTC

>trans\_c\_7275 Novel Gene

AAGATAGTCTAGCACCTCCGAACTAGTCCAGTCCCCGTAGGATCCTTTTTTTATTTATGATGCATCTACTCGA  
TCTAATTGGGGGTAGATAGGAGTTAATCCATAACGGAAGATATCAATTTGAATATCTGCCGAATCTGATTAA  
CAAAGAATCAAAAACACGCGTGCCATATACGCA

>trans\_c\_7276 X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

TTTGTTAAAACGCCAGCGTATATTTGGAGCTCAATATTCCATCCTATTTTCTTGCAAGACCCGTTTGGATAAG  
GGAAAACCTCCAGAGATTGCTTTGAAGTCAGATCCTTGTGTTGACCCTTCTCTGAACCAGAACCGGGAGGAGGA  
GAAAAATGTCCTTGAGGGCTTTTAAGAGGGAA

>trans\_c\_7277 GQ435577|Luffa aegyptiaca voucher PS0469MT01 Ycf5 (ycf5) gene, partial cds;  
chloroplast

GGTGCCCTGTATTGACATTACAATTCAGTTAATAACCTTATTAATCAATGAAACCGTAGGACTCTATGTTTCGTC  
AGAAAAGGGCATGATAGTTACTTTTTCTGTATAACAGGATTATTAGTTACTCGTTGGATACCTGGTTGATCCT  
GCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTA

>trans\_c\_7278 NM\_001074862|Oryza sativa Japonica Group Os11g0636900 (Os11g0636900)  
mRNA, complete cds

TTCGGCGTGCAAATCAAGGAGCCAATCAACCCAAACCAGAGCAAGAAAGTGTCTTTTACATGCACAGCAGCA  
AATTGCTTTACAGCTTATGCTACAGCCTGGGGCTGTATCCACCAAGGTTCTTGTCTTACACAAGTTGTTACCCC  
TGAAGAGCTTATTAATGATGAAGACTACGAAG

>trans\_c\_7279 NM\_124725|Arabidopsis thaliana GLT1; glutamate synthase (NADH) (GLT1) mRNA,  
complete cds

AAGGCCACTGTGGCCAAGGGTTTCTGGAGCCCTGGTCTGTGGCGGCTGAGGAAGAAGCTCGAGGTTTACTA  
TACTGCTGCAACCATGCCTTATAGAGGTTCTATGCAATCTGTTCCAGTGTCAACCACCACCAATCACAACCTACCT  
TCTTGTCTTTTGCAGAAATGTAGTTGCCGTCTT

>trans\_c\_7280 XM\_002877728|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata photosystem II subunit O-2 (PSBO-  
2), mRNA

ACCAGGAGGGACAGTGACCTTATGAAGAGAGTGAGCAAGAACTCCCCACCAGAATTCCAAAACACCAAGCTC  
ATGACTCGTCTAACTTACACACTAGACGAGATTGAAGGACCCTTTGAAGTTGGTGCTGATGGTTCAATCAAGT  
TTGAGGAGAAAGATGGAATTGACTAAGTCAAGTGT

>trans\_c\_7281 X80170|O.berteriana rpl2 gene

AAAGGGAAAGGGCGTCGGTACGGAGTCACTGTTGGATATATACTAGTAGGTAGGCTAGTTGGAACCTA  
CGTCTGAAACTATGGTATGGACCGAGACTACCTAAGGAACAAGGAAGTCTCACAAGAAGTCAAGGAACGA  
AGCTCTTTTCAAGTATGATACGGACAAGGGTCCGAAT

>trans\_c\_7282 AB547974|Picea morrisonicola chloroplast psaB gene for photosystem I P700  
apoprotein A2, complete cds

ACTTCCCCAACGCAGGCGACCCGCTGACTCTGGGCATGGATGTTCTTATTTGGACATCTTGTTTGGGCTACTGG  
CTTTATGTTCTTAATTTCTGGCGCGGATATTGGCAAGAATTGATTGAAACCCCGATGCAAATCTGTAGGTATG  
TGTTCCCAATCGTAACTAAGCTACCTTCAAT

>trans\_c\_7283 AY220078|Nicotiana tabacum photosystem I reaction center subunit X psaK mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product



CGGAGGGGCGGCGGCGCTCTCAGTGCTCGTTGTGGTGATTACATTGGCTCACCTACCAACTTGATAATGGTGA  
TATCGACGAGCCTGATGCTGTTTCGCTGGGAGGTTTCGGATTGGCTCCATCGGCAAACAGGAAATTGGTAATAA  
AATTGAAGCTGGAGGCAGAAACGAGACGGCTGGGT

>trans\_c\_7284 DQ414681|Cucumis sativus stachyose synthase mRNA, partial cds

CGGTTGGTGACCTGGGATGCTTTTTACTTAACAGTAGACCCTGTTGGAATTTGGAATGGGGTTAATGATTTT  
GTTGAAGGTGGAATCTCGCCAAGGTTTCTCATCATTGATGATGGATGGCAAAGCATCAATTTGGATGGTGAAG  
ACCCAACCTCGAGATGCAGGGGGAGAACCCTCCCC

>trans\_c\_7285 Novel Gene

TCATCAGATTCAGTATCCGATGGACTACAACATACTACTAATATTATGTCTTTCATCAACCTCCATGCTGCCA  
CCCTTTTCCACACCACTATCGGAATTCTCATTCACTCTCAAAAATCTACCGTGGGTACCTTGTTTCATTAGATTCA  
GACGACCTCTCTCTAGTTCCTTTTGTCTTG

>trans\_c\_7286 NM\_101822|Arabidopsis thaliana wound-responsive family protein (AT1G19660)  
mRNA, complete cds

ACGAGAGCGAGCGCTCTTCAACAGCAGCAATCAGCATGTTCTCACGAGATTGAACTCTTTAGCTTCAACACA  
AGGCTGACCACTAGGCCTATCTGACCTGACAGGCGGCGGGTTGCTTACGATTGGGGCCTGAGTTGACAGCTT  
CCCACCTTCAACAACCTCTCATACCATCACTGCGTG

>trans\_c\_7287 AP009366|Aethionema cordifolium chloroplast DNA, complete sequence

AACTACGGAGTTGCGTATGTTTTATCAGCGCCTGCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATG  
ACAGGACAGGGTGCTGTAAAGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAACGCGCCATTCTAAGGTAGCGAAATTCC  
TTGTCGGGTAAAGTTCCGACCCGCACCTTTCCGCATT

>trans\_c\_7288 GQ998069|Bulnesia arborea voucher FLAS:M.J. Moore 334 23S ribosomal RNA  
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

GGAGGCGTTTCAGCATTCTGGTATGTATGGGTAGTCATAAGTGCCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGT  
GACCTGATGACAGGACAGGGTGCGACCGAAGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAACATATTGCCAGGATTCCAT  
CGCTTTAAGGAACAGCCCGGACCTTAGTTTATGTTC

>trans\_c\_7289 X73156|L.esculentum polyubiquitin repeats

CTTGAAGCGGAAGGAGGTATTCCCCCAGACCAGCAAAGACTTATCTTCGCCGGAAGCAGTTGGAGGATGGA  
CGAACTCTTGCTGATTACAACATCCAGAAGGAATCTACTCTTCATCTTGTCTCCGACTCCGTGGTGGTATGCA  
TACCCCACTGGGTGAGACACCGGGAAGTGGTAC

>trans\_c\_7290 XM\_002324035|Populus trichocarpa pho1-like protein, mRNA

TGGTCAGGTTTTATAAGAAGAAAGTGGGGGAGTTGATGGTGGAGGCAGAGGAATTGAGCACACAGATGGAT  
ATTTTGATTGCTTTGAGGATAAAGGTGGAGAAACCAGATGTTGCTTTGAAGATGTTGACGAACATGTTGATC  
TAGCAGTCCTGTACTGAGGGGGTTGACAATGACTGG

>trans\_c\_7291 NM\_120395|Arabidopsis thaliana FLA11 (FLA11) mRNA, complete cds

GTAGAACTTAGGCAAGACGTGGTAAAGGAGGAGCTGGCTTTTCTGCTGGTCGTCGAAGGCTGTTGAGGGCGCC  
GGATTCAAGGGCATTGAAGCCATTATCAGTTGGAGCAAGAATGGTCAATCCTTCCTTCCAGAGGCTGTTGAGC  
TGATTATCAAGCTGAATAATTAATCTGCTTTGATT

>trans\_c\_7292 AB441167|Fagus crenata CP12 mRNA for chloroplast protein 12, complete cds

CCCATGATTTAGCGAATTCTTCAAGCTCACAATTGAACTTTAACATTACTTCTTCCCTACACAAAGATATGGCTA  
CCATTTCCGGAGTGAACATCTCAAGTCCAAGAATCTTGGCCAAGGCAGCCCAGACACCTAAAGTACAGCCTCT  
CAATGTTGGGTTTAGAATAGTAGATGTCTTCG

>trans\_c\_7293 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CCTTTGACCCGTGAATGGGATCCAAAGAGACCATGTCTTCATCCATAGGGTCCCAAGTACCTGGATCAATCAA  
AAGTTCGATTCTATCTGAACTACTCATTTTCAAATGGTATCCACATTGTTGACAAATATTCATTTCAGAAGTCGGG  
GTTTGTTCACGTATTAGCTCTAGAATTACTA

>trans\_c\_7294 AY133660|Arabidopsis thaliana At1g59710/T30E16\_31 mRNA, complete cds

CGGTGTTCCCCGTGGCGGAACTCGGTTACTCATGATATACCGCACCGGGCTGCTACTAAGGAATGGATTCTA  
TGGGATCTTGATGTTGTGGATATCGAACTCAATCTTCTGTTTCATAAAACCCTAGATCATCCCCCATATGAATCC  
TCCGACCCGATTACCTCTGGAGTTGGATTG

>trans\_c\_7295 AF043539|Spinacia oleracea ClpC protease (clpC) mRNA, chloroplast gene encoding  
chloroplast protein, complete cds

AGTCAAAGTGCCGGAGCCATCTGTGGATGAAACCATACAGATTTTGAAAGGCCTTAGGGAAACGCTATGAAAT  
TCACCACAAACTTCGTTACACGGACGAAGCATTAGTAGCTGCTGCGCAGCTGTCATACCAGTACATCAGTGAT  
CGATAGAACGGACGCGGACGTTATTCAGTAGTGTA

>trans\_c\_7296 HQ340170|Oryza coarctata ubiquitin 2 gene, partial cds

CTTGAAGCGGAAGAAGGTATTCCCCCAGACCAGCAAAGACTTATCTTCGCCGGAAGCAGTTGGAGGATGGA  
CGAACTCTTGCTGATTACAACATCCAGAAGGAATCTACTCTTCATCTTGCTCCTCCGACTCCGTGGTGGTATGCA  
ATGGGGGTGACCCACTCTGTGGCCCTTCACCATG

>trans\_c\_7297 DQ479355|Corylopsis pauciflora TM6-like protein (TM6-2) mRNA, partial cds

TAAACAGTAATGATCGACACAGATTTACTTAGTTCATTGACATCGTTTAAGCTACGTTTACCAGTAGAGGGAAT  
GATAGGTTAGTTTATTTTAGAGAGAAATATTAGATAATACCCACTGTAAATGTGCCAGAGTAAAGAGTTCATA  
TATAGTGCATCCCTCTGGCCAAAATCGCGGGCC

>trans\_c\_7298 AB025906|Cucumis melo CMe-ACS1 gene for 1-aminocyclopropane-1-carboxylate  
synthase, complete cds

AAAACATTATTAAATGAAGAAAATTGACACCTTAAATTCTTATTGAAATAAATGAAATCGGATAAGATTTTAA  
TTGGAAACGCTCAAATCTCCTATTTTTTCCCTTTAATGAAATTATCATTTAAAGATAAAGAGTTTTTATCCACG  
AACAGATTAATACATAACAGGGGTAAACAC

>trans\_c\_7299 X55076|B.vulgaris mitDNA for ATPase subunit 6

AAACTTCGAGAAGTAGGACCAAAGTGAAGTGAAGCAGCATAAACAAAGATGAATTTGTGAATGAGAAATAAA  
GACCCCTTCGCGCATGCCAAGATCAATGGGAGAATGGCAAATTGCTCAAGTGGGCTGTTGGGCGTCAGAGTCA  
GAAACACTTTGAATTTTCATCCCTGTAGTTCCGCTTC

>trans\_c\_7300 NM\_001048514|Oryza sativa Japonica Group Os01g0140100 (Os01g0140100)  
mRNA, complete cds

GGTTTGCTTGCTCTCCGCAAGCTTTTATATCTCACAACCTCTCTAAGGAACTCGGCAGGGCAGAGCCACTGCA  
TGTTGTCTCAGCAGCGCACATCAGCGGACCCTCTCGGGTTTGCCAGCTCAGATTCTCTCTGCAGAGAGTTCTGA  
CTTCAATCTGTTGTTGCGACCGCCGTACGA

>trans\_c\_7301 FJ360753|Dunaliella salina isolate Ds16S1 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATGTGCTATTGTCCCGTATGCTCTCGAGTGGAGGAATACCGGTGGCGAAGGCGGCCCCCTGGACAAAGACTG  
ACGCTCAGGTGCGAAAGCGTGGGGAGCAAACAGGATTAGATACCCTGGTAGTCCATGCCGTAAACGCGTCTT  
AATGCACTACTAAGAGGCACACTCTCCGTCTTGTG

>trans\_c\_7302 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

TGGGTTTTAGTCCTGAAAGGAAAGTCTAAAGTATGTAGGTTTCTGCTTTTTAGCCACGCGGGGGGGTAGTTC  
GATCGTGGAATTTATTTTTTCTGTATTTCCGGAATATGAGTAAAGTGTATGATTGAATTGATCCTATGGATAC  
GACAGAGAAGAAGTCGGTCTAGAACTACTTCT

>trans\_c\_7303 DQ223268|Lycopersicon esculentum ethylene-overproducer1-like protein (EOL1)  
mRNA, complete cds

TGAGGATATTATTTGTGATAGGGAGAAAATTTTCAGGTCTCTCAGCTCCTTTTCATGCTATGCTTAATGGATGCT  
TCACTGAATCAAACCGTGAGGTAATTGATCTGTCTGAAAACAATCTTTCCCATCAGGAATGAGGGCTATAAG  
GGAGTTCAGTAACACAGGGAAGTGGGTGAAG

>trans\_c\_7304 NM\_001051251|Oryza sativa Japonica Group Os01g0833800 (Os01g0833800)  
mRNA, complete cds

AAGGGAAAGGGAGTGTACCAGCCCACTAGTGGACGTAAGATTGGCACTAGCAACCGTGACTTTGCTCGTAGC  
GTTGGGAGTCAACTCTTGGTCAACAGCACTCGCACCAACAACGTCGTCAAACCGATTGCCCAAATGACAGTCC  
CAATCAACTCCTCCATCAAAGGTGCTCAGAGGTG

>trans\_c\_7305 BT010129|Arabidopsis thaliana At4g18480 gene, complete cds

ACAGGGTTTGTGGGACTATTGACATTGAAAAAGCACTTACTGAAGGTGTGAAGGCATTCGAGCCAGGCCTTCT  
TGCTAAAGCTAACAGAGGTATTCTCTATGTGGATGAAGTAAATCTTTGGATGATCATTTAGTTGATGTCCTAC  
TGGATTCGGCTGCCTCTGGTTGGGGTGTGACC

>trans\_c\_7306 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GTCCCTGAAAGAACAGATATGGTATAGGGGTGCATTCAATCTTTGTTTGTCTATTAGTTCACAGTTCTTCTCTTT  
ATCGCGGGGTAGAGCAGCTTGGTAGCTCGCAAGGCTCATAACCTTGAAGTCACGGGTTCAAATCCTGTCTCCG  
CAACCACGAAAACCGGGTACAGCAGCCTCTT

>trans\_c\_7307 BT005355|Arabidopsis thaliana At5g66675 mRNA, complete cds

ATTGAGAGCTCGGTTCGTCCTTTCGTGCACTTGAACATCAAAGGATCGTAAATCTGGATTGTTTGCACACTCAG  
CTTCATATGAACTAAGGGCAGCTGCATAGTGAGCATCATTGATGGGAAGTGGAGGAAGAGAAACATCGCCAC  
CACCTGATTTGCTTTTGCTAGATTGTCCTCCCA

>trans\_c\_7308 AP009368|Olimarabidopsis pumila chloroplast DNA, complete sequence

AATGAAAAGGTCGTCTTATTCAAAACCCCTTCTCTCCCACTTTTCTATCTCACTTCACACCTTGGAACGCACCGT  
TCTTATAGAGAGAGAGGCGCTTTCACATCTTCTTAACCCGAAATGGCAAATGGCTGGGGAGAGAGGGAACCT  
TTTTTTTTAGGGTACCCCCGGGGTTTCGAAC

>trans\_c\_7309 AJ309069|Sesbania rostrata mRNA for lipoxygenase

CCTAAAGAAGCTCCCGCTGCCAAGAGTTGTGAGTGAATCCAGCCAAGGACTGCTAAGATACAACACACCCAA  
GATCCTTTCCAAGGACAAAGTTTGCCTGGCTGCGAGATGACGAATTCGCCCGCCAAGCAATAGCAGGAGTTAAC  
CCAGTCAACAAACTCGAATCCAAGTTTTTGTCT

>trans\_c\_7310 AY133610|Arabidopsis thaliana At1g54080/F15I1\_16 mRNA, complete cds

CTCTCCGTCAAAGGAAGCAGACTATTCTATATCTGCAAAGTTCCGAGTAAACGTCGCACATAAATTCCTAAC  
GATGTTGATGGACGTTCTTTTAAGGATGTTCTCCGTTGTGGGTGGTCTCATATTCCGTCGCTTGTGGAGCAG  
CGTCGCTGCAATTGCCACCTTGTCAGTGCCA

>trans\_c\_7311 EU312158|Cucumis melo cultivar Madras 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2,  
complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAAGAAAAGGAGGCGAATATGATATGCTTAAACTCAGCGGGTAGTCCCGCCTGACCTGGGGTCGCGTCGAGA  
GCGTCGTCCTTTTAAGGGGCGGCGTTTCAAGGGTCGTGAAGGAGTCCGTGAAGTCGACGTCGAGGTCGAGA  
CGCGTCACCGAGGTTGAATCAACCACCGTAGTGTCG

>trans\_c\_7312 FJ437211|Corchorus olitorius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAATATAAAGAAGCAGACGCGGGGCTGGCTCTTGCCCCCTGGGCCGGGTATAGGTCGCGCGCTTCAGCGCC  
ATCCATTTTCGGGGCTAGTTGATAGCCGCTTGTGACCACCGTGTGTCTCTTAGCGGATTTTCGACTTCCATGACC  
ACCGTCCTGCTGTCTTAATCGACCAACACCCTT

>trans\_c\_7313 AF017171|Spiraea sp 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAGGCTCTTATGGACTGAGCGGCTTTGTGAGCAACGATCCTATTTTGCTGGCTCCTCAGCCAAGCACATACACC  
AAATGTCTGAACCTGCGGTTCTCTACGTCAGATGAAGAATTACTATTGCGACACTGTCATCAGTAGGGTAA  
AACTAACCTGTCTCACGACGGTCTAAACCCTG

>trans\_c\_7314 NM\_001059772|Oryza sativa Japonica Group Os04g0502900 (Os04g0502900)  
mRNA, complete cds

AAGACTTTGCAGAGCTACGCAAGAAATTAGAATCCTTCTCTTTGGCTATTTTCAGCTATGGTAAAGTAAATGGA  
GAATTAACAAAACAAGATTTCCAACGAGCAGCTTCCCAAGTGTGTGGAGTTTCAATCACTAAGAATGTTGTTG  
ACATAATATTTACATATTTGATGCAATACTT

>trans\_c\_7315 L42984|Ankistrodesmus stipitatus chloroplast large-subunit ribosomal RNA (rrnL), site-specific DNA endonuclease I-AstI gene

TTGTTTATATCCATATGAACTTCCTTACTCTTCTTTACTTTTCATCTCTCAGGCCAGCAGTCTGATACTTCTAGTCG  
ACTGCTCTATGACGGGCTTCCCGTTCCTGGGCTCTGCTCGCTCGTATACGCTCCGATCCTGCAAGTAATATA  
ATAATAGAAGACAACTCTCTTTCCTTGT

>trans\_c\_7316 AB194604|Pisum sativum PsIPT1 mRNA for adenylate isopentenyltransferase, complete cds

GTTTCCTCATGGTGACAAATAGGAACACAACAGGTTCAAAGTAACTGGGGAATGCTGAGAGGAGACCGCCAA  
GCTAATCTGGTATATTTTCTCATATATTTTCTCTCCCATCTCTCAAGACCATTGAAACAATTATATCTACAGT  
GGCAGAAGGGTTCAGGACGTAGAGAAACAGT

>trans\_c\_7317 CP000584|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 4, complete sequence

AAAATAGTGTCTGTTTTATGTTCAAAAACCTCTGTTCTTAGCTAGAGGTGTGTTATGAATAATGTCTATTTCTGT  
TTTTCAATCACAGTCATGTAATGTTGGTCACTTGTGTCCATGGAGTTAATGGATAAGTTATACTAGTACACTCTC  
TATTCCTCTCCAGAGGTCTCTATTCGTTG

>trans\_c\_7318 X16858|Spinach psaH mRNA for photosystem I reaction centre subunit VI

ACAACTCTCGTGAGGGTATGGATCTGATGCTCCTTCACCATAACAATTCTCTTCAGAGCAAATTCTTTGAGACCTT  
TGCTGCTCCATTCACCAAGAGAGGATTGTTGCTCAAGTTCTTGCTACTAGGTGGTGGTGCTACTTTAGCTTATA  
TGTCACGATGACGGGGTCTACTACAAGAA

>trans\_c\_7319 BT030338|Arabidopsis thaliana At2g26280 mRNA, complete cds

ACCTCATTGGTAATAAGGCTCTAGCAAAGGAACTAAGTGTAAGGGACAGTTACATAATATGCACATGAAGG  
CAGCTCATGGAAGGGCCCAAGAATCTACTTATCGGCAGAGGAATCATTTAGGTGGAGACAATCAAGGAAATG  
GAAGGGGGCACGAACGTATGATTGACCTGCCCCG

>trans\_c\_7320 XM\_002329156|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb5 (Lhcb5), mRNA

ACCAGGCAGCAATCTTGAAGGTGAAAGAGATCAAGAATGGAAGATTGGCAATGTTTGCAATGCTAGGGTTTT  
ACTTCCAAGCATATGTGACAGGAGAAGGGCCAGTGGAGAATTTGGCAAAGCATTGAGTGATCCTTTTGAA  
ACAATTTGCTCACTCAGTAAAGTCCCTTACGACT

>trans\_c\_7321 AY373974|Ipomoea batatas cysteine proteinase precursor, mRNA, complete cds

TGCCTCTGCAGCCAATTTCAAGTGTCAATTCAAACGATGCTGATCAAATTGCAGCCAATTGGTCAAGAATGGCC  
CTCTAGCAATTGGAATCAATGCAGTTTTCATGCAAACATACATGAAGGGAGTTTCATGCCCATACATATGCTCT  
AAACGAAATTTAGATCATGGAGTTCTCCTT

>trans\_c\_7322 AM259597|Herbertus runcinatus ITS1, 5.8S rRNA gene and ITS2, specimen voucher Rycroft 031123-1125 (GOET)

AAGACAACCTCCAAAGCAAAGGAGGAAGGGACAAGCGGAGGCAACTTACCTACTTCAAAGAACCTCCTACTAC  
GTCCGGAGCCCTTGTGTGAAGCAAATGATAGGGAGAAAAGTCATCCGAGAAGACGAGATCTTGAATATGGAT  
TGAACAAGTCCTTCGGACCCCGTAGTAGGACTTT

>trans\_c\_7323 Z97339|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, ESSA I FCA contig fragment No. 4

TGCCCAATGATGGAAAATCACTATGAAATGAACGGTAGCAGATGGCTTTTTTCGTCATAGCCTTTTCTTATCTCC  
ACCTCCACCCCTTACCTTCTCTTCGTTCAATCTATACATCTAATCTCACACACATCACTGTTTGTAAGGTTTTTT  
ATGAACAAATTCCATTTGCTTTATACCG

>trans\_c\_7324 DQ535872|Myrmecosicyos messorius trnL gene, partial sequence; chloroplast

TTTAACCGCGGAACAACACTTCCAAGAACTTCAAACCTCAAGTTCGGAAAGACTTACGCCACTGCTGAGGAGCA  
CGATTACAGGTTTCGTGTCTTTAAGGCTAACCTCCGCAAAGCGAAGCGCCACCAGAAGCTCGATCCCGACGCT  
GTCCATGGCGTCTGAGCCAAAAAATCAAGGCA

>trans\_c\_7325 Novel Gene

TATAGTGACCGCCCCGCTATAGAAATATAAAAAATAGAGATTCGAGTTGTCATTAATCAATATAGTATTTCACT  
ACGTAATACGTTTATCTTTCATCGTTTCTGGAGTTTCGATGGAAGGATTCATTCCTTTACTAACGCAACGTCGTC  
AACTCCATTTGTTAGAACAGCTTCCATTG

>trans\_c\_7326 EU249995|Manihot esculenta ubiquitin precursor-like mRNA, complete sequence

TGAAGCGGAAGAAGGTATTCCCCCAGACCAGCAAAGACTTATCTTCGCCGAAAGCAGTTGGAGGATGGACG  
AACTCTTGCTGATTACAACATCCAGAAGGAATCTACTCTTCATCTTGTCCTCCGACTCCGTGGTGGTATGCATAC  
CCCCACTGGGGTCTCACAATTCCTGTTGCA

>trans\_c\_7327 AJ698938|Populus tremula x Populus tremuloides mRNA for monosaccharide  
transporter (tMST2.2 gene), strain T 89

AAGATCAAAGGTGGTTGGGGATGGCGTTTGAGTTTAGGTGGTGCTGTGGTTCCTGCTCTTATTATCACTGTTG  
GATCGTTGGTCTCCCGACACTCCCAACTCGATGATTGAGAGAGGACGTTGCGACGAGGCTAGACATCAACT  
TAACCTTCGGATGTTCCGGTCGCACATGTCTT

>trans\_c\_7328 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S  
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed  
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GGCTCCGGGCGCAACTTGCGTTCAAAGACTCGGTGGTTCGCGGGATCCTGCAATTTATAAGAAAACGTCTCCG  
CATAGCTAGTTAGCAGGCTGAGGTCTCGTTTCGTTAACGGAATTAACCAGACAAATCGCTCCACCAACTAAGAA  
CGGCCATGCACCACCACCATAGAATCAAGAA

>trans\_c\_7329 X81678|Coccocypselum sp. RR-91-19 chloroplast DNA atpB-rbcL intergene

TGCTTTAGTCTCTGTTTGTGGTGACATAAGTCCCTCCCTACAACCTCATGAATTAAGAATTCTATCGTCCTGCTTC  
TGCTTAAAGAATAAAATATGAAACTTCATACACCTTAAAGTTGTTTATAAGATAGGACGATGCGAGAGCCGAG  
ATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTGACGA

>trans\_c\_7330 XM\_002878989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-2 (CAM2), mRNA

CGGCGATGGTTGTATCACCACCAAGGAGCTTGGGACTGTGATGAGGTCACTTGGCCAAAATCCAACCTGAAGC  
TGAATTGCAAGACATGATCAATGAGGTGGATGCTGATGGAAATGGAACAATCGACTTCCAGAGTTCCTAAAC  
CTCATGGCGAGAGGAGACTTCTCGCATTGAGAC

>trans\_c\_7331 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

AAGACACGCACCACTGAGAACGATCCTCTACAGCCACCAGACCATGGGTCTATGAGCCATTATTCACGCTCTA  
GTCACATGGCACAACTCATCCACCGGACTTAGGTTCTTGTCTCCTTAGAACTCAAGTTGAAGGTCGTTGAGC  
TTTTCTGGGAGTATGGCATGGGTACTTCA

>trans\_c\_7332 DQ534010|Lolium perenne GIGANTEA (Gl) gene, complete cds

CCCCCTGTTGTCAACAGACGTAGCGTAGTCCTATCTCTCTCGTACGTACTGGATCTTTGATCGTCTAAAGAGT  
TCTGAAACATGAGCTGCAACCATTGCTGCAGCAACTATCTCATTTGAACTATAACTCCATGAAGTTCCACAGA  
AGATGGCTTTAAAGAAAAAAGTGCTTCAA

>trans\_c\_7333 AY738712|Digitalis thapsi progesterone 5-beta-reductase gene, complete cds

AAAGAACTTCTCATTCTCCGATCGATCTAATTCCTTTTCGGCTAGGGCCTCTCTCTCAGTTACCTCTTTTTCAGG  
TAAATCCTTTCTACGAACCCACTCAGGATAGCTTCCCCTTACTCAATCGAGACGGATTCTCAGACTTTGGTCTC  
GTCTAGTCTAACCGTAGGCTTTCTCTT

>trans\_c\_7334 X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

GAAAGATCGGAACATGGGAATAGATTGGATACCAATACGGACTACCTATTTCAATTGTTGTGCTTTCTCAAATT  
GCATACCTATACAAGGGTTCAAGTTTTGATCGATATTTGCGGAGTTGATTATCCCTCTCGAAAACCTCAGATTTT  
CAGTGGTCTATAGAACTCAGAGCAGAGGT

>trans\_c\_7335 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

TGAACGAATTTGATGATCTTCCGGCATATCTTCGTCGTTTTCTTGGATCAGTTGGTCTGTCTCCGTGATTAATTT  
GTATGACCAGCGAGGAACCTTTTTACTTATTTCTTTATTGCAATCGAGTTTTACCACAACTTTAGGGAGACC  
GAAGAGTGCTCCACGCTCTCACTAAAG

>trans\_c\_7336 AY058162|Arabidopsis thaliana At1g34060/F12G12\_150 mRNA, complete cds

GGTTTAACACAGCATAGTACTTGAATTTGCTGTAGATTATTATGAGCTCCATACTCATTTGTGTATTCTTTTAA  
TTTTATTTCTTCACCATTTCCATCTCTTGAGAGCATCCTTGAGTGAGTGATATTTGTGGGATTTGTTAGCATTTTC  
GCCCCCTCTCCCCCCCCCGCCGTAC

>trans\_c\_7337 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

AGCCTTTTATTTGGTAGGTAACATCGATGAAGCTACTGCGAAGGCTACGAACTTAGAAATGGAGAGGTTTAAC  
TTCTTTACTGGAATTTAGAATCACAGGACTGAGGCTTAGCTTAATAAACCTAAGTCTTCACCTTTCTTTAGTAA  
ATCAATGCTTATCACTAACCGCCAATGTAA

>trans\_c\_7338 AB465534|Avicennia marina chloroplast DNA, microsatellite marker Avmacp08

ACTTACCGAGCGATTGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTATCGCATATCACCCCGATTAAATCCTCTTGTGTTGT  
AGACGTTCTATAGTAAAAAATTGCTATTTCTCTTTCTCCACAGAGAAACGTTTATTCCAAGTCACAACATATGA  
GCCGTTTAACCCGCGAGGGAGGGTCGGAA

>trans\_c\_7339 GQ998820|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C cytochrome b6/f complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds;  
chloroplast

GTCGCGCTTGAAGAAATGGAGAGTGAGAGCTGACTTAAGCAGAAGAACATTCCGTTTTCAAGAGTTACAATT  
ATCCATTGCAAGGAATTAAGTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTGATATGCGTT  
AAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCG

>trans\_c\_7340 AY510449|Solanum tuberosum 4-alpha-glucanotransferase (DE2) mRNA, complete  
cds

TAGAAGAAGATACAAGAATCTATGTCATTGGTAGTTCTTCGAAGTTAGGACAGTGGAAGGTACAGAATGGAA  
TTAAACTTAGCCACGCCGGTGACTCAATCTGGCATGGAGACTGCATCTTGCAATTCAGTGATTCCCCTTAAAG  
TACAAGTATTGTATTGCGCCTTTGGCAGGAGT

>trans\_c\_7341 NM\_112261|Arabidopsis thaliana subtilase family protein (AT3G14067) mRNA,  
complete cds

CCCGGTATTATTTCCGGTGATTCCTGATCGGATCCGTCAGCTTCATACCACTCGGACGCCTCATTTCTTGGGCTTG  
GCGGATAACCTAGGGCTATGGGCTGACACGAATTATGCTGATGATGTGATTATTGGTGTTCTTGATACTGGAC  
GGGTTAATTTCTCCCCGAGGGGAGTGTCGT

>trans\_c\_7342 GQ998831|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C photosystem II protein D2 (psbD) gene, complete cds; chloroplast

GTTTTGGGAGCCCAAAGTTGGGGATAACCGATGACAGTTGCCAGGCGGACCCTCCTGATCCAGACCAAACCG  
GGGATGTAAGGCACGCCCATGTTGCTTTTGCTTCTGGGTAAGGTATTTCTACGGTAGCACCATGAATAGCGC  
ATAGCAGAGCAGCGCCCAATACACCCGCAACTC

>trans\_c\_7343 XM\_002335966|Populus trichocarpa amino acid permease (PtrAAP6), mRNA

CACACACACACTGGGCCTTTTTTTTTTTCATTATTTGTAATCATTGTTTGTTTTCAAGATGGGTGAGAACCAAGC  
TTTTGGAATTTCCAACGACGTGGTTCCACAAGGCGTTCCAAGTGCTTTGACGATGATGGCCGCCTCAAACGA  
ACCGGTAATTTCAAGTGGGCCAAAAAACCA

>trans\_c\_7344 FJ595244|Dimocarpus longan triosphosphate isomerase-like protein type I mRNA,  
complete cds

AATGAAGCTGAAATTCCTTCGGAAGATGCTGTGCAAGTTGTTGTGAGTCCTCCTTTTGTGTTTCTTTGCTGGT  
GAAGAGTTTGTGAGGTCTGATATTCAAGTTGCAGCACAGAACTGTTGGGTTGCAAAGGTGGTGCGTTTACT  
GGAGAAGTTAGTGCTGAGATGAGGTGACCGG

>trans\_c\_7345 EF207444|Daphniphyllum sp. 205-82 inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast



TTTATGTTTTGATTTGTTCTGCCGGATTGGTCGTTCAAGACCTTTGGTCTCTACCCGGACCCGATGAAAAAAT  
GGGATCTATGGACTCGTTGAGAATGATTCTGATCTAGTTCATGGCCTATTAGAAGTAGAAGGCGCTCTGTTGG  
GATCCTCACGGACAGGAAAAGATTGCAGTC

>trans\_c\_7346 AY105482|Zea mays PCO146153 mRNA sequence

ATTTGCGCTCCTCTTCAGTCGTTGGCTTCGCCCCTTGCTCCGGTTGTCCACTAAAAGCCTCAGACGGAGCCT  
CCGTTAGGACTCTGAAGACCGAAGGACTCTGAAAGCCAACCTGGTAAAGCTTCTAGCCAAGAAGACGAGAAGA  
CGATCAGACGAGATTTTCATCGTCTTCCGAAT

>trans\_c\_7347 Novel Gene

TCGGACGACTATCGATGACGCTTTGCTTACCGGCTCAGGCTTCCAAAGGCGACCAGCTTGAAATACCTTTTGTT  
ACGTTACGCTGCCATTGATTTTTCCAATCTCATTGAATAGCATGGCCTGGGGTAACTTAAGTGGGAGAGCCGT  
GTTATGGGTGAAAGATAACGTATTGGGTTC

>trans\_c\_7348 HM592264|Pilostyles hamiltonii voucher K. Dixon 1039 (PERTH) 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

AACCGTAGGCCACTATCCTACCATCGAAAGTTGATAGGGCAGAAATTTGAATGATGCGTCGCCGGCAGCAT  
GGCCGTATCGGCGTTAAGTTATTATGATTCACCAAGGAGCCCCGAAGGGCATTGGTTTTTTATCTAATAAATAC  
ACCCCTTCCTGAAGTCGGGGTTTGTAGCATG

>trans\_c\_7349 EF470303|Phoenix dactylifera cultivar Tagtagt 16S ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

CATATACAAAGAGAAGCGACCTCGCGAGAGCAAGCGGACCTCATAAAGTATGTCGTAGTCCGGATTGGAGTC  
TGCACAGAGACTCCATGAAGTCGGAATCGCTAGTAATCGTAGATCAGAATGCCGCGGTGAATACGTTCCCGG  
GCCTTGACACACCGCCCGTCACACCATGGGTC

>trans\_c\_7350 U18349|Phaseolus vulgaris phaseolin G-box binding protein PG2 (PG2) mRNA,  
partial cds

GGGGGAGTGGGAGGTGATTCATCGAACATCGGATTTGATGAATAAGGTCAAATTCTGTTCAATTTCAACAAT  
CTCGAGACGAGTTCTTGATTTGGGAACTACCGCCGCCGCATCCGCTGCAGACGAAGGGGAAAACGACCCG  
TCGTCTCGTGTTGACACAGACCATCGACAAC

>trans\_c\_7351 GU011707|Tabebuia rosea microsatellite A120\_M13R\_seg19 sequence

GGACGCCACATTTGCATTGCAAGCTATAGAATAACAACATAACATTAAATTAATATGGAAAGATATACATAAA  
ATCAATAATAATCCCAAATCTCACACCCAAACAAATTCAATCATCATCCCCTAAATAAAGAAAAACACACACAC  
ACACACACACACATATATATATAACCCGTG

>trans\_c\_7352 AF479178|Nerium oleander 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTAGAGTTTAACCATACAAGCCTGCGTAGCCATCATCGCCGAGTCAAATTGAACAGAGGCTCCAGTAACAGGC  
AGTCGTCATTGCTGGAACAAAAGAAAGAGCCAAACGGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCCCTCTTC  
GGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGCT

>trans\_c\_7353 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

AAAAATAAAGTAAAAGTATAAATAAACCTGAGACACACACAGGAATCTGTCGATATTTCCGATTAAATCCTCTT  
GTTTGTAGACGTTCTATAGTAAAAAATTGCTATTTCTCTTTCTCCACAGAGAAACGTTTATTCCAAGTCACAACA  
TATGAGCCGTTTAACCCGCGAGGGAAAA

>trans\_c\_7354 AF496655|Arabidopsis thaliana cell cycle-related protein (EXO) mRNA, complete cds

ACTTGGTGGAACCTAACGGAGAAGTATTACAAGAAGAAATCGAGTCCCCTGTTTCTCAATCTCGGCAAGCAAA  
TCTTGGATGAGAATTACTCGTTGGGGAAATCACTAACCAACAAAAAATCCCTCAACTGGCTTCAAAGGGTGA  
GCACTCCCCATACTTAAGTGCCTTTTACCA

>trans\_c\_7355 EU017279|Trachelium caeruleum ATP synthase CF0 subunit IV (atpI) gene, partial  
cds; chloroplast

AGATTTACAAAACCCCTTATCACTTAGTTTTGACAGGGGCGGAAATATATTAGCTGATGAATTAGTAGTTGTT  
GTTCTTGTTTCTTTAGTACCTTTAGTAGTTCCTATACCTGTTATGTTCTTGGATTATTTACAAGTGGTATTCAAG  
CTCTTATTTTTGCAACAAATGAGTACA

>trans\_c\_7356 GQ998314|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 cytochrome b6/f  
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

CTTTTTAAAGCCCTAAAGTTAGGGATTTATCAATCGGTAATGTTGCTCCAATACCCAACCAAAGAGCTACTGC  
GGTACCAATCAAAAAGACGGTTGTCGCTACTGGACTCACTTGACTAGGTAGGGTTGCTGTCTCACTGGCCGAC  
CTTGACCCCTGTTATTTTGAGATCATATCT

>trans\_c\_7357 CP000600|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 20, complete sequence

GTCCAACCTGTGAATCGAGTATCCATATATTCTCGGAGGCGTAGTGCTTTCTTTATTGGGCTTTATAGTAATCCT  
TCAGTTTCTTCTTGGCATCAAAATAGATCAATGAAAGAGGAAAAAAGAATTTGAGAAAAGAGAAAGCCTATG  
ATTATACTAAAGAGAAAGCCTATGATTATA

>trans\_c\_7358 NM\_001073083|Oryza sativa Japonica Group Os12g0271600 (Os12g0271600)  
mRNA, complete cds

TCAAGGAAAAAGAAGCTGAAGCAGAATCTACTGCTGGGAATTTGCATGTCAAGCTCCGGAAGACCAAATCTG  
AACTCGAAGCATACCTTGCAGAAGAATCTAAAGCAAGAAGTGCTTGTGAAGAGATGCTCTCAACTCTTAACCA  
ACTGTCGTCAGAACTGAAAATGGATCTGCCC

>trans\_c\_7359 AL161516|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 28

CCGAAGAGGGGAAAGGTTCTTTTAACTATGATTCCTTTTTCTTTTTAAGCTGAAAATGTCAAAAGCTAAA  
AAGTGGTTGTTGACAAATAGGGTATGTATATAGATCAGTGTTCAATACTTAGTATCTTACTAATAAGCTAAGAA  
AAACGAGAGGGGGTATAGTATTAAGTTAG

>trans\_c\_7360 EU580880|Exodeconus miersii voucher BIRM S.1223.73 (BIRM) NADH  
dehydrogenase subunit (ndhF) gene, partial cds; chloroplast

CCGCCTCTAATTTTACCCCAAGGACCCTCCATAGCATCAGGTAACCATACATGAAGAGGAAATTGAGCAGAT  
TTAGCAACTGCACCTGCAAATAATAGGACGGCGCACAAAGTAACAAATAATAAATTAACCTCATTATTATCAAT  
CAAGTTATTGTTATAAAATAATAAATCCCG

>trans\_c\_7361 AY534123|*Aegilops tauschii* transposons Caspar, XJ, Angela, and XJ, complete sequence; LRR protein WM1.7 (WM1.7) and LRR protein WM1.12 (WM1.12) genes, complete cds; transposons Ophelia2, Angela3s, and XJ3, complete sequence; LRR protein WM1.3 (WM1.3) gene, complete cds; Stowaway MITE, transposons XJ1, Jody, Angela, and XJ and Stowaway MITE, complete sequence; LRR protein WM1.2 (WM1.2) and LLR protein WM1.1 (WM1.1) genes, complete cds; transposons XJ, XA, Angela, and Fred and WM1.11 gene, complete sequence; RPM1-like sequence and LRR protein WM1.10 (WM1.10) genes, complete cds; and transposon XJ, complete sequence

TCTTTGTTTCTGAATTTTGACCCACACCTGAGTGAAGAGGCCCTTACAATCCGAGGGAGTGCTTTCTCGATTT  
CTTGAGGAGTGGAACCATGAAATGTCCAGAATCCCCGGGTGACGGTAGAAGAAAGACAGAGAGAAGAAA  
TAGAATTCCTGCAAGAAGGGGGAAAAAGAGAG

>trans\_c\_7362 NM\_001067697|*Oryza sativa* Japonica Group Os08g0189700 (Os08g0189700)  
mRNA, complete cds

TTATTATATACCCTGTGTATCTTTTTTTTCCGTTGTTTTGTGTTTCTTGTTAAGTCAAGTTGTGCAATGTT  
TCATACATGGTGATATATCTTGAAGGTGTGGTTTCTGTTCTTTGTACGATTCTGGGGTCTGTCATTCTATTGAT  
TTCGAAATTTTGTCAACACGGTCA

>trans\_c\_7363 AP009375|*Lobularia maritima* chloroplast DNA, complete sequence

AGAGCTGCCAAGACCGCTCGTATTATTAGTCTAGGGTTTATCTTTTAAGCATAGGTATTCTTTCAGGGGCAGT  
ATGGGCTAATGAGACATGGGGATCGTATTGGAATTGGGACCCAAAGGAACTTGGGCATTTATTACTTGGAC  
GATATTTGCAAAAATAAATGTATGCGCTTGT

>trans\_c\_7364 FJ917192|*Dunaliella* sp. 'Atacama' 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGGCATTCGTATTTTCATAGTCAGAGGTGAAATTCTTGATTATGAAAGACGAACAACTGCGAAAGCATTC  
GCCAAGGATGTTTTTCTTAATCAGTGAACGAAAGTTAGGGGATCGAAGACGATCAGATACCGTCGTAGTCTTA  
ACCATAAACTATGCCGACTAGGGATCGGACG

>trans\_c\_7365 XM\_002882208|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* immediate-early fungal elicitor  
family protein, mRNA

TATTAACTAGAGATTCACGCCGTTCAACATCTCAGTGACCTTGTCTTTCATGTCACCACCACAACCAACCTGCA  
AGAGAACCAATATCTTCTGGAAAGCACCCAGTTGGGCTGCTTCAACTCTCACCTCATCTCGCCCTTCTCACCA  
CTCTTGCAAGCTTCAACAATATTGACA

>trans\_c\_7366 GQ864264|*Glycine max* CONSTANS-like zinc finger protein (COL10) mRNA, complete  
cds

AGATCCCTAAGTCACAGTGTCTTCTTCTCCTTAGAAGTTGGAGTTGTTCCAGAAGGGAATTCGATGTCGGA  
AATATCATACCCGATGGGTCAAACGTGAGTACCGGTGCGGATTCAGGGCTACGGTTGTCAGGACCCGGAAA  
CCAAGCGAAACAAAACACAAAGGGGGATCCT

>trans\_c\_7367 AY968420|*Schizopepon bryoniifolius* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAAAGGCAAGTTAGATGCGGATTGAGACGGCGGCCTACGCCAGGCCTTTGTTACGCCGTGTTCTCATGATAA  
GTCACGATCGTGGCTGGCAGCGCGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCTGCGCGCTCCTGGCATCGGTGACA  
CCCGAGGGGATTAAGACGGCAGCCGGTGGGGA

>trans\_c\_7368 XM\_002890622|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase family protein, mRNA

AGGAGCAAGGAGAAACAGCTGCCTTTCTCCTTCTGAACCCATTTCTGTCGTGTCAAAGCTTTCTATGTCTCTC  
AAGAATACCATACTGGGTGATAAGAATCAGAAAAACCAAAAGTACCAGGTCACAAAGCCTGATATACCTATAT  
AATGGTTGTGTAGACGTCCCGTGTCTCTAC

>trans\_c\_7369 GQ998726|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 ATP synthase CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

TACCGGTCACCCACACCCCAAAATAATTATCTCGCTGACCACGTCCGATAGGAATCATTGAATCAATAGCAATA  
AGTCCTGTTTGAAGAGGCTCGTATACGGAACGTCTCGAAATAATACCAGGAGCGGGGGATTCAATTAACCGA  
GAGTCAGAAGATGTTTAAACAGTCGTTGT

>trans\_c\_7370 XM\_002891677|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

TTCCACAAGGGAAGGGAATCGACATGTTTGGCCTCGTATTATACATCTTGAGTCGTCGCACCGTGGCGGCAC  
TACGCCCATCTTGTTTTCTCATTGCTTCGGTTGACATCCAGAGAATGCTTTGGTTTCCAGACACATTTACCTT  
CTTTCTTCTTCTTCGCCATCTGATT

>trans\_c\_7371 X63606|N.tabacum atpC mRNA for gamma subunit of ATP synthase

CCCTTCTGTGCAGGCCCTCTTCTCCGCCAATCCACAGCTCACCTCCCTCCCTCGGCTGCTAAACCATGTCTTGTT  
CGAATCTGACTATGTGGGTGACTTCAAACCCACCGTTTCTGATGCATCCTCCCTGTCTTCCGCTCATTTTTGA  
GCCCTTTTCAACTTCCTTCCAGAAT

>trans\_c\_7372 X05512|Spinacia oleracea 16 kDa protein of the photosynthetic oxygen- evolving protein (OEC)

AAAGGGTTGGTAGTGGAAGAAATGGCACAAGCTATGGCATCAATGGCAGGACTCTGTGGTTCCTCTCAGGCT  
GTATTGGAAGGTAGCCTTCAAATTAGTGGCTCAACCCGCTTGAGTGTGGCTAGCAGCATCAGACCTTCCGTCC  
CCCGGGAGTTTGGTCGTGACCCTTGGTCAA

>trans\_c\_7373 HM122531|Malus x domestica COL domain class transcription factor (COL15) mRNA, complete cds

CGCTTCAAGAAAAGCCTATGCAGAAACCCGTCCAGAATCAAAGGCCGTTTGCGAAACGAACCGATATGCT  
ATCAGAAGTTGATGAAATCTATGGCTCAGCTGCTTCATCTGTGTTCTGACAGACGCTCAATACGGCGTTGTAC  
CAACACCCACAACGGGTCTAATCTGGCTT

>trans\_c\_7374 GQ997940|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 clp protease proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

GTGTTCCAAAAGTACCTTTTCGAAGTCCCGGAGAGGAAGACGCATCGTGGGTTGACATATAGTGCGACTTGTC  
AGATATATTGGGTCATATGGTATTTCCCGTTCTCTCCCCGATCGAGATATCCTCTCTTTCGCCCAAGACGGAT  
TGATTTAATCATCGAAAGCCCAAGATTC

>trans\_c\_7375 BT003013|Arabidopsis thaliana At5g64030/MBM17\_13 gene, complete cds

GTTGTAGTACATCTCTTTGAAAAGAAATCCTCCAAAGCTGGCCACCCACATCCAACATCCAGAATTACACGT  
GATCGTTTTCCCAAGCGAGGTCATTGACAGACTCCTGTATAAGTCAATATAGTGAAGAGCACCGTGCTTGAA  
CTGGGTCCCACCACCAGGAAATGTAAAGT

>trans\_c\_7376 DQ629189|Monoclea forsteri large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

AGAATGGACCGCGAGTTACGATCCCATGCAAGGTTAAGTGAAGACACGGAGCCGCAGCGAAAGCGAGTC  
TGAATAGGGGCGAATATAGTATGTGGTCGTAGACCCGAAACCGTGTGATCTACCCATGTCCAGGGTGAAGGT  
CAGGTAACACTGACACCTCCGGGCTTGGGTGTT

>trans\_c\_7377 XM\_002882278|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata esterase/lipase/thioesterase family  
protein, mRNA

TCACACTAACTTTTACATTATCACTTCCTTCTAACCCAAGATTTCACTAAGATCTATTGCATTTCAAAAGCCCA  
AGACTTCACCAAGAACTTGAAGCAACTCATGATGTGCAGTCAAGTGAGGGAAGTGGCCATTAGTGTTAATAA  
CTCGCACTGTGCAACTTCCTTTGATTTT

>trans\_c\_7378 XM\_001696516|Chlamydomonas reinhardtii eukaryotic translation elongation  
factor 1 alpha 1 (CHLREDRAFT\_134382) mRNA, complete cds

GGGGAACATACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTGGCCATGCCCGAAGTCGTTACCTTAACCGCAGAAG  
AAAAAGTAATAAGGCAGGGCTAGTGACTGGAGTGAAGTCGTAACAAGGTAGCCGTACTGGAAGTGTATTAG  
TTCGACAAGAAGATAAGGTTAAACGTGATGATT

>trans\_c\_7379 Novel Gene

GCCTACAAGCCCCCAAGATTCTACACATCTCCTTAAATTCCATATGCTGCGGCTTTCTGTCTTATCCGGGACCAA  
CGGGTAAGGGGGGCCCTAGGACGACAGGTTTGTGGGACCAACCCGGGAAAGAAGGGCCGGGGGGGGAG  
GGCAGAGGGGGGGAGGCGGGGGAACGGGGCAT

>trans\_c\_7380 FJ752238|Malus x domestica VTC2-like protein mRNA, complete cds

ATGATGAATACAGACAGGAACCAAGTGCTTGTCTCAGCATAAACTGTGGGAGAAGAAAGATCCGTTGCC  
CACAATCAGCAATTAAGACATTGTATGGAATGTTGTTTTCTGAAGGCATATGCAGGCATCAGACACCGAGTT  
GGATAGAGATTGCAGAGTATTTCCGCCCTCA

>trans\_c\_7381 XM\_002325185|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAGGAGGTTGAAGACATTGAAATTGAGAGTGATGGATATCTGTCTAGGAGTTTGAAGGCAAGAAGGCGAC  
AGATCTCAGACTTGCTGCCATTTAGTTGGAAGTCAAGTCAGGGGGTTTAGGCAAGCTTGTGATTCTGTGGA  
AATAATCATGTACAGTAAGGTTACAGACCTCGG

>trans\_c\_7382 CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

ATGGGGTTTGCTATCCCAGTCATGGGGACTAGAGCGGCAAAGTGGCCATGGGAGCCCCCACAAGTGATAAT  
GTAAGCCCAACGCACAGACAGTGCGCCACAATTTGAAAAACCTCTCCCTGTGGAATACCACGCCACCCCTAAC  
TCAAGAGGGAAGCGCTCGGCCTCGGGCTACT

>trans\_c\_7383 GU799504|Ruthalicia eglandulosa voucher H. Schaefer 06/438 (M) 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTTCAAAAACGGCTCATATGTTGT  
GACTTGGAATAAACGTTTCTCTGTGGAGAAAGAGAAATAGCAATTTTTACTATACTGCGGACTAGACGTGAC  
GTTTATGGGACAGCGCATATTAAGTCGTCT

>trans\_c\_7384 Novel Gene

CTCCTCATTCTGCTCTTATCTTCGCTCGTCTTGACCCCTCCAAAACAAAGGTCCTCAATGAATAAGGAGGATTC  
TTAAATAAGGGTCCGTCCTAGGTTATGAAATAACTCGTAATTAAGCTACCACGGACCGGTTTCAAGAAAGTCG  
ACTGATAAGGAGTCAATGAAGAAGGGCG

>trans\_c\_7385 AY133660|Arabidopsis thaliana At1g59710/T30E16\_31 mRNA, complete cds

AAACCGTGTTCTCAGGACTCCCTAGAACAACTTCAAAGTTCCATTGTTGGGAGGAAGTTGCAACCGAATTG  
GATAAAGCTTTCCATTAGAGGGCTACGAGTACATACTACACCTTCAATCCCATATCTTCTTAATTTAC  
GAGTCAATTCCTCCACTCCTTTCCATT

>trans\_c\_7386 XM\_003081989|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot11g02350) mRNA, complete cds

GAAAAGGAGGAGCAAAGCGTCACAGGAAGTTTTGAGAGATAACATTCAGGGCATTACCAAGCCTGCAATTC  
GCCGTTTGCTCGTCGTGGCGGTGTGAAGCGAATCAGCGGTTTGATTATGAAGAAACCAGAGGTGTTTTAA  
AGATCTTCCTAAGCGCACATTCAAATTACGAT

>trans\_c\_7387 NM\_101442|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein (AT1G15740) mRNA, complete cds

AGACATTGATCCTCGACGAGGGAAATGCCCTTCTTATGGACTTATGCATCCGACGAATATGCAAGGATATA  
GATCAATATGACAGTTTCAGTATGCTTCCAAGGGATATTAGTCAGCTGATCCTCAATGAATTGGTGTATTCTCA  
GCTTCTAAATAATATTTACGCGGATACG

>trans\_c\_7388 X64434|M.crystallinum mod1 gene for NADP-malic enzyme

GTGGTTGCCTGAAGATGCTTCCATATTTCTGGCAAGCTTCACCTACGGTTGGTGTATAGACAACCGGGAGCAA  
TTCTTCTACATGATCGATAAGGAGCTTGAAAACAATTTCTCATTCTCTCTGAAGATCCATCATTGCCATGTA  
CTTCTGCAATGGTACTTGATATTGACG

>trans\_c\_7389 NM\_127746|Arabidopsis thaliana CESA9 (CELLULOSE SYNTHASE A9); cellulose synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CESA9) mRNA, complete cds

AGATACAAGCGTCTCAAAGGTAGTCCTCGGGTTGAAGGCGATGAAGAAGAAGATGATATTGATGATCTTGAG  
AATGAATTTGACATTGCAACAAGGATCCTAACAGTGCATCTGAGGCAATGCTCTATCCTCACCTTGCCGTTGG  
GCGTGTTCTCATGCTAATGGTTCTGGAA

>trans\_c\_7390 DQ673259|Jasminum subhumile psaA-psbB fragment, chloroplast

CGACTTCTGGAAGGGATGCATTTATTAGATAAAAGGTCGACGCGGGCTCTGCCCCGTTGCTCACTACATTACACA  
GCGGTTACGTTGTAAATGCATGTTGGGTCTTTGAAACAGTTCAAATCATTTTGATAATAATAAGTTTGATCTGT  
TTTACCGAGAAGGTCTACGGTTCGAGTC

>trans\_c\_7391 AB490410|Citullus lanatus subsp. vulgaris gene for 18S ribosomal RNA, partial  
sequence

CACGATATCAAAAACACGACCCGGCCAGTTAAGGCCAGGAGCGCATCGCCGGCAGAAGGGACGAGCCGACC  
GGTGCTCACCATAGGTAAGTTAGCACTGGTGGTTGTCCAGGTTGATGCTCGAAAATAACTGCACAACTTAA  
TATACGCTATTGGAGCTGGAATTACCGCGGC

>trans\_c\_7392 AY664414|Zea mays cultivar B73 locus 9008, complete sequence

TTTCCTTTTGACCAATAAACATTTTGGTTATCTACAGAAGGAAGATAACGGGAAGTACTCCTTTATCAATGCAA  
AATTCAATCCACTCAAGAAGTGCTCAGTGTGTAAGTACATGAATCATTATGAGGAGATGATAAGGGGCCTTAG  
GATGGTCCATGCACTTTTAAACATTAC

>trans\_c\_7393 XM\_002863253|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 1, mRNA

TTATTTGCCCCCTTTTTTAAACCGAAGTCCGCAGACTGGGTGCGCAAATAGCAGCCGGAGGAGGAGTAGGAGTT  
GCCCCGACCCCTTGCCGAGAGATACGGAGTAGCCTTCCTCCCGGCTCCCCCGCCACCCAAAGCGCTTGGGACGC  
CACAAATCCAACCCCAAAAACCATATTT

>trans\_c\_7394 Novel Gene

GGGGCGTGTTGCCACAAGATGCACAACCCGGCCTAACACAAACACAAAAACCTTACCAGCCCTTGACATATG  
AACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGGAACGCGGACACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCG  
TAAGGTGTTGGTTAAGTCCCGTGGTAGAT

>trans\_c\_7395 GU010707|Arabidopsis thaliana ecotype Ga-0 CYCD3-1 5' flanking region genomic  
sequence

CTCATCAGGCCCCGCATAGACACCCATAAACACTGTGAGTTTTATTAAAGCTAAATAAAAATAAAAATAACATACC  
TATTATGGCTGATGTTGTAAACCATTTATTTTTAAATTGTGATAGTTATTGTTGTTTTATGTTGTGTTGTGGATT  
ATTAGGCATCCCCCTTTTTTGAGAC

>trans\_c\_7396 AY839989|Lysimachia rubiginosa NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene,  
partial cds; chloroplast

TTGCGTGTAACCATACATAACTATGGTAGTTGTCGGGACCGGCACTGAGAGTGTTACTCCCGAAGAAATGGG  
GGATGATGGGTACGACGATGTCTAAGATGTCGATGATGTCGCGGATTTTGATACGCCTTCTTCTGAACTCCC  
AACTTTCTCTCTGTAAGCTCTCCTCATGT

>trans\_c\_7397 D37958|Malus x domestica atp9 gene for F0-ATPase subunit 9 (complete cds) and  
nad5 gene for NADH dehydrogenase subunit 5 (exon a and b)

TAAATTTCTAGTACCAACTAATTCATTCGGGCGAGACATCGTCAGATCTCATGATGCGCCCATTCCTATGGCC  
ATTCCTTAATACTTCTGGCTCTCGGGAGTCTCTTTGTAGGATACTTGCCAAAGATATGATGATTGGTTTAGG  
TACCCAGCCCCAAAACCGCCGCGAACC

>trans\_c\_7398 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

TCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGTAGCACTTAAATTCATGGTCTGCAGGGAAGTGTATCTCAGGCC  
ATACGAGCATTGTGCGACATTGAAACCTCCCCTTTCTCTCTTTGTTGCCTCAGTTACTTGCATGAGACCGAGG  
CAGAACTGGGCAGAGTGGCCTTGCTGT

>trans\_c\_7399 GU817749|Cirsium discolor isolate 1156 ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase large subunit-like (rbcl) gene, partial sequence; plastid

AGAAAATGAGTAGTCCGGGCGCGCACAAAATATTGCGCACACTCACACAAGTGTGGATTCAAAGCTGGT  
GTTAAAGATTATAAATTGACTTATTATACTCCTGAATATGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCG  
AGTAACTCCTCAACCGGGAGTTCCACCT

>trans\_c\_7400 AC069329|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T3P01 From  
Chromosome V, complete sequence

CATATGCCACAACTTTGTTCTGGAAAGTGAGAGTCTTAGGATTCAGAGAGTGAGAAAGGAAGTGTGGT  
TAAACCATTGATGGTGGTGTATATTCGGGTTTGAACAATTGAGTGTGGATTGATTTGAATGGATTTCATTCTGATT  
TTTCAGTAAAAACAAGAGCGAGCTCCG

>trans\_c\_7401 AY775035|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 57 (ACRE57) mRNA,  
partial cds

AATGATGATGATGATCGAGAGGTGAGGGAGGCTTTTCAGATGTATGAAATGGAAGGATTGGGGGTGATTAC  
TCCGGTGAGCTTGCGGCGGATGCTTAGCCGCTTGGGGAATCGAGGAGTGTGGGGATTGTAAGAGAATGAT  
CGCTAAATTTGCGGGTTCGTTATCGTGAGTT

>trans\_c\_7402 FN599860|Camelina sativa 18S rRNA gene, ITS1, 5.8S rRNA gene, ITS2 and partial  
25S rRNA gene, cultivar Calena

TCAAAGACTCGGTGGTTCGCGGGATCCTGCAATTCACACCAAGTATCGTTCGCATCGAAGACGCACATGCTCC  
AGCTGGCCAAGCTACCCTCCCAAAAAGAAAGCTGACGATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATC  
ATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAA

>trans\_c\_7403 AY727483|Prunus virginiana PsbZ (psbZ) gene, complete cds; and tRNA-Gly (trnG)  
gene, complete sequence; chloroplast

AAACCGCTAACCTGGAAGTATGGAACATTTTCACCCCCCGCTTTGCCTTTCCCATCTCCCCCTGGTGGGTATC  
CTTAATTCTCTTATCTCTTGAACCTCTTCGTTCTCGATACAAAAATGAAACGACCCTCCCCTAATTCTTTCGAACT  
GAGATCAGGCTGAAACACTTTAC

>trans\_c\_7404 AJ430942|Ipomoea batatas chloroplast tRNA-Leu gene for transfer RNA-Leu and  
partial tRNA-Phe gene for transfer RNA-Phe

TTACATAAACCTAAGTTCCGAGAGGGGGATATGGCGAAATCGGTAGACGCTACGCTGAATTTTATTACTAGTT  
TTGGTATGGAAACCTACTAAGTGATAACTTTCAAATTCAGAGAAACCTGGAATTAAAAATGGGCAAAGGACT  
CGGTTTAGGGGGGGGGGGGGTTAATGGG

>trans\_c\_7405 GQ998518|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 envelope membrane  
protein (cemA) gene, complete cds; chloroplast



ACCCTCAGATTGGGTTCGGCGGATTGTCGAGAAGTGCAAATCATATGGATACGATCCTCATTGTGCATCTTG  
ATCAATTGGATCGTTTCTTTGGGGGAGGGGCTGACGATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCA  
TTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAAT

>trans\_c\_7406 NM\_001053801 | *Oryza sativa Japonica Group* Os02g0586000 (Os02g0586000)  
mRNA, complete cds

ATAGCGTATATATCGCCTTCAAAAATCTCCGTGTTTGTAACCTTCCTATCCGGGGGTGCACTTGTGGCGGCTTC  
TGATTTATTGGCCTCTATGACTAGCTCCATTCTCATATGCTTAATCTGCAGAAAACAAGCTAAAGGTGTAGTG  
AGGCCCCACAGCCGACGGGTTTCGGG

>trans\_c\_7407 EF207457 | *Saxifraga stolonifera* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAAAGCCCTAAAGTTAGGGATTTATCAATCGGTAATGTTGCTCCAATACCCAACCAAAGAGCGCAGTATTGCA  
ACCGACCCCTCATTGGTGATAGCAGTTCAGTGCTTACCCCTAGATGTCCAGTCAACTGCTGCGCCTCAACGC  
ATTCGGGGAGAACCAGCTAGCTCTGG

>trans\_c\_7408 XM\_002329600 | *Populus trichocarpa* nadph-cytochrome P450 oxydoreductase  
(ATR2), mRNA

CGATTGTTCTCAGGCTCTGTCTGACGAGGCGAAAGCACGGTACGATAAGGCCAAGTTTAGAGGCAGGATGAC  
TATGGGGGTGACGACGATGAATACGAACAGCAATTGAAAAAGGAGTCTGTAGCTGTTTTCTTCTTGGAACGT  
ATGGCGATTTCTCCGGGTTTCAGTTTACAG

>trans\_c\_7409 AB252057 | *Brassica napus* gene for 16S rRNA, partial sequence

TCTCGGGTGACGAGCGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAACTGCCTGATGGAGGGGGATAACTACTGG  
AAACGGTAGCTAATACCGCATAACGTCGCAAGACCAAAGTGGGGGACCTTCGGGCCTCATGCCATCAGATGT  
GCCCAGATGGAATTAGCTAGTAGGTGGGGTA

>trans\_c\_7410 AB183015 | *Solanum lycopersicum* LeSDH mRNA for sorbitol related enzyme,  
complete cds

TTTGGCAAGACAATGTCAACAGCCTTAAAAGCCAGCCGATCTGGTGGCAAAGTTTGTCTGATTGGAATGGGTC  
ACAATGAGATGACTGTTCCGCTAACTCCAGCTGCAGCAAGGGAAGTTGACATAATTGGCGTGTTCGGTACAA  
AAACACATGGCCTGTGTGCCACACTTTC

>trans\_c\_7411 EF207448 | *Kalanchoe daigremontiana* inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

GTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTCTGAAACCAAGAACAGAGGAATC  
TTGAGTTCCTGTGTCTAACGTGGTTCGCGTACAGGTACTTCCCTGTTGAAGGTCGTTTCGAGCTTTTCTGGGAG  
TATGGCATGGGTTACTTCAGCGCCGTAG

>trans\_c\_7412 XM\_002889456 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* aldo/keto reductase family protein,  
mRNA

AATATCAGAGAAAGTGTAGAGAAAAGTCTCAAGCGGCTGAACACTGACTACATTGACTTACTGCAAATTCATT  
GGCCAGACCGGTATGTTCCCTATTTGGGACGTTTGTTTATGATTCTTCGAAATGGAGGCCGAGTGTGCCTTTA  
TATCGATGGGACTTTTACGGGACTTTT

>trans\_c\_7413 EU836688|Glycine max nematode resistance HS1pro1 protein (HS1pro1) mRNA, complete cds

TACAGCGGGGCGTTTATCTTATGGATAGAGCGTCGCGAGTAAACATACCGTCTGATGAACTCAGATCAACAAT  
CGGAACTCTACCGCGTGATTACCGTCCTCTTCGTCGTCCTTCACAAATCATAGCAATGAGTTGGATCTGAGTGG  
TGGTAAGAGACTCAAGCTTCCTCTTCC

>trans\_c\_7414 X51690|V.faba mitochondrion coxIII gene

CCCCCCCCTTACCCCCACCCGCTAAAGTGGTAAAGAAGGGCTCTTTGGGGTCTCATTTTCTTTCTATCTGACA  
GGACTCAAAAATAGGAAGGGATGGTTCTTTCATTGCATTGATAGAAGTCTAACTAGAAAAAGATCTCGTTGCT  
TTGACCGAGCCAAGGCATCCTTAATCT

>trans\_c\_7415 HQ266716|Triticum aestivum isolate 102-17 75k gamma secalin (sec2) gene, complete cds

TTTTTGGCATGGTTAAACGCTCGAGGAAAGGTCTGGAACATTGGCAGGTGGAATCACTATCTCAGTAACTGG  
GGGAAAAATGTAGCCAACCTGAGGATTCAATGAGGTAGGCATGACTGGCTGGGCAGTTCTCGGCTTCCAACA  
ACAAGATGTTTCTGCTGGACGACAACGGA

>trans\_c\_7416 NM\_129687|Arabidopsis thaliana GLU2 (GLUTAMATE SYNTHASE 2); glutamate synthase (ferredoxin) (GLU2) mRNA, complete cds

TAATATCAGAAAGAGGAGCATGTGGAGTTGGATTTGTTGCCAACTTAGAAAACAAAGCATCCCATAAGATTAT  
CCAGGATGCTCTTACAGCACTAGGCTGTATGGAACACCGTGGTGGATGTGGAGCTGATAATGATTCTGGTGAT  
GGTTCAGGATTAATGTCTTCCATCCCAT

>trans\_c\_7417 NM\_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800) mRNA, complete cds

CTCTACCACTTCCGGAAGCCCAAGAAACCGCAGTATTCTTCCTTTCTACAAAGCACACTATGGAATGGCTCATG  
CTGATGAGAAATGGCGATGGTTACATCGAAGAGGAGGAGCTCGACAAGCTCGTTGACTATGCCGAGAAGTTTC  
AGCACAGAGAAGGACAGACTTCAAGCAG

>trans\_c\_7418 GQ998126|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 RNA polymerase beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TCTTGACGGTATCGAGCTGGAACAATCTGTTCTTCCTGAATACCTGGATTCACTGCCAAAGAATTTCTGTGCGC  
TACCATATAGTATTCATCTCGACTTGGTGATAAATAAAGCATCCGCACTTTTTTTGGAGCGATTTGTCTGGTTAA  
TTTTACCGGTAGGTAGAGTGAGTCG

>trans\_c\_7419 Novel Gene

AATTACTAATTTGAATTTGAAATAATCTATCTTATTTAAATTTAACACTTAACTTTTGATATATACGTCCCACTAC  
TAATTCAAGGAAAGAGGATATTAATACAAACAAGGATCCCATCTATCTCTTAGTGAGGTAATTAAGAATTTT  
TGAAAGTTTAAGTTTCGTTTTTAA

>trans\_c\_7420 EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

ACGTCCCTGCCCTTTAAATGGATCTTCTTTTGAACCTCAGAGTAGCATCGACTCAGCAATTCGCCGTA CT CATAG  
AATTTTATCTATTCTGGAGGCTCTCTTTTCTCTAAAGCCTTCTTCTTGGAACGTCTTGGAGTTATAGTTCACAC  
TCACCTCAACTCACAGCTGTCCA

>trans\_c\_7421 X13914|Wheat signal recognition particle (SRP) 7S RNA variant 2

TCACCGGCCCCGTTATCCTTCCACCGAGTTCTGCGGGTCCACACGCTGCTCTGTGAAACCAGCCTCACGCGGTTT  
CCTCCATCTCTACGAGCAATGGACTCCCAACCTACGTCGAGAGCCCCCTGCCAGCTCACAACCTTGAATGGG  
CAGGCCAGCAATCATCTCAGTCTACCT

>trans\_c\_7422 FJ008870|Malus x domestica cultivar Fuji calcium antiporter 1 mRNA, complete cds

GAAAAAAAATAAATTTAAGAGGAGGCAGCGTAGCCAAACAGTAACGGCAATAAGTGGCACAGTAAAGATAG  
CATCAACATGAGGGAGTTGACATCAGCTTGCCTTCTGTCATAAATTTGTTCCCGTCTGAGATTAGCAATTCCAC  
CACAAAAGAGAGAAGTTCCAAGAACAAGA

>trans\_c\_7423 DQ629336|Amborella trichopoda large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

AGATCAGCCGTGGAAAAAAGGAAAAGGCTAATCTGCAACACTATTGCTGCTGTTAGATCGTGCTCGTTACCCC  
GATAGTGGCAGTACCTCTATTATTCTCATTTTCGGGTACAGGTACTTCCCTGTTGAAGGTCGTTGAGCTTTTCCT  
GGGAGTATGGCATGGGTACTTCAGC

>trans\_c\_7424 NM\_180259|Arabidopsis thaliana methyltransferase (AT3G15530) mRNA, complete  
cds

ACTCAACGCCGTTGCCACTCAGCTCAAGAAGGAAGGAAGTTTCAGGTCGAGTTGTGGGGTTAGATCGGAGCAA  
GCGGACTACTCTGGCGACGCTTCGTACGGCAAAGATGGAGGGTGTGGAGAGTATGTGACGTGTCGAGAAG  
GCGACGTTAGACGGTTGCCACAGCCCCTGTT

>trans\_c\_7425 AF139500|Prunus armeniaca p69RF mRNA, partial cds

AGAAAATGGTTTAGTTTTTGGACCTCTTAAGGAGTTAAGATCAGAGGAAAACCCAGACATTTATAAAGAACT  
TCCATCAAAGACTATGTGGCTCATTACTATAACAAAGGCCTCAATGGCATCTCTGCTCTTGAACCCTTCAAACCT  
TGAACAACTTAATCGCGTCGTCAGG

>trans\_c\_7426 AF073744|Cucumis sativus raffinose synthase (Rfs) mRNA, complete cds

CTGGTCGACCATATGTTCTCCTTCTCCGATCGTTGAGGGACCGTTCCGAACCTCGATTGAGCCTGGGGATGAT  
GACTTTGTGCGATGTTTGTGTCGAGAGTGGTTCGTCGAAAGTTGTTGATGCATCGTTCCGAAGTGTGTTGTATCT  
TCATGCTGGTGATGATCCGTTTGCA

>trans\_c\_7427 AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

TAGTTACTCTAGAAAGAGAATTATTTGAATTTGCATCTTCCACTGAGGCAGTTGAAGCACGGACAATCTCCTCA  
AGTTCAAGATTCTTCTGAGTGGCAGTTTGAGCGACAACCTCCAGTTTCATTATGGAGATCCTCCAAATTCCTCAA  
CTTCTCTCCAACCTCTTATTGTTG

>trans\_c\_7428 AF543711|Aristolochia pistolochia ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

AATAACAGCATGCATTGCACGGTGAATGTGAAGAAGTAGACCATTATCTCGGCAATAATGAGCCATTATCCAT  
TGCAAGGAATTAAGTTTCGTACAGATAAATGCTCAATACCCAAGTAGGCTTACAAAGTGATATGCGTTAAGTCG  
TCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCG

>trans\_c\_7429 Novel Gene

AAGTGCATTTCTGATTTGGCAAGGACCAAAGGCAACGAGAAACGGAATTGAACTAAGAATTTTTCTCAAAC  
CATTTCATCATTATATTCAACACAAAAGTATACACAACGATCTCCACATATTCCATTGTCTTCGGCTGCATAAAC  
CCCTCTCTTCGCGCTATTGATTCTA

>trans\_c\_7430 FJ804757|Trebouxia brindabellae strain SAG 2206 large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CCCATTCAAGGCGACCCGCACGAAAGGTGCAACGACTTGGGCACTGTCTCAACGAGAGACCCGGTGAAATTA  
TACTATGCGTGAAAGATGCGCATTACCCGCGACAGGACGGAAAGACCCCGTGGAGCTTTACTGTAGCCTGATAT  
TGAATGTTGGTACAGCCACGTGAAGCG

>trans\_c\_7431 DQ768221|Fragaria x ananassa inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

TGACGATATGGATGATAGTGGCGATATTGATGATAGTGACGATATCGACCGTGACCTTGATACGGAGCTGGA  
GCTTCTAACTATGATGAATGCGCTAACTAAGGATATGATGCTGGAAATAGACCGATTTATATCACCTTCCCG  
GATCCGGCTACCCCTACCACTCTTCC

>trans\_c\_7432 Novel Gene

GGGGGCCCCGCACAGATAACAAGATGCACAACCCGGCCTAGCACAAATATAAGAACCTTACCAGCCCTTGACA  
TATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGGAACGCGGACACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGT  
GCCGTAAGGTGTTGTTGGTTCAGGGCACC

>trans\_c\_7433 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AGAATTGCGTATAGTGAAACGACACGACATCAATAAGTTAAACTACTTCGTAAGTATAGGTTTCGGTATACAA  
ATCGAAAGGATCCAATTCGAAGTTGAGCCGGCGACTCATAGGCAGTGGCTTGGTTAAGGGAACCCACCGGAG  
CCGTAGCGAAAGCGAGTCTTCATGGGGC

>trans\_c\_7434 U87088|Porella pinnata ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, chloroplast gene encoding chloroplast protein, partial cds

GGGTCCACCTGCGTGTGCGGGGAGATAACCCTACATGATAATTTGGTTTATTGGGATTATCCGCTAAGAATTA  
TGGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTACGTGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATGATGAAAACGTGAATTCCCAA  
CCATTTATGCGTTGGAGAGTGGCAAAG

>trans\_c\_7435 AY800381|Gossypium hirsutum chloroplast protein YCF1 gene, partial cds; chloroplast

AAAACAAACTTTTTTGGATTGGATGAGAATGAATGAAGAAATACTAAGTGGTTCAGATCGAATTTGAAACGT  
GGGTGGGTCTTTCCAGAATTTTGTACTTTATAATGCATATAAGATTAATCCATGGCTGATACCAATCAAATC  
ACTTCTTTTAATTTGTTACCCCCGT

>trans\_c\_7436 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

GAGTGCAGAGTGATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAAGCCTTGGTGGTGAAATGGT  
AGACACGCGAGACTACCCGAGATGTAGCAAGAGCGTGGAGGTTTCGAGTCCTCTCTGGAATGTTGTATTCCA  
ATATGCAGATTGTTGGCCAGAGCAGTAT

>trans\_c\_7437 EU312159|Cucumis melo cultivar Madras 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2,  
complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGACACTACGGTGGTTGATTCAACCTCGGTGACGCTCTCGACCTCGACGTCGACTTCACGGACTCCTTCACG  
ACCCCTCGAACGCCGCCCTTTGGGAAGGAGGCTCTCGACGCGACCCCAGGTCAGGCGGGACTACCCGCTGA  
GTTTAAGCATATCATATTCGCCTCCTT

>trans\_c\_7438 XM\_002882025|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase  
family protein, mRNA

GTTTAGGTTTGCCCCATGCTTTGCAGACTTCCGAACAAACAAATGTATGACTGCATCCTGCCTATTACAAATA  
TCGTCTACAAGGCTATGATCATCTAGTGGCTTTCCATCACACACTACTTCATGCTCATCAACAACGTCACAAAA  
TCCTTTACCTTCGTAGCAATCTTC

>trans\_c\_7439 DQ768221|Fragaria x ananassa inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

AGTCACAAGGTTTCATTGTGGATTTTGGTGTGAGAGGAACGAGCATTTTCGGGGACTAGCCCGCTTCCATTAC  
TCGACTCAGGCTATTGTCCGGTCCTCTTGAAGTGTGAACCAAGAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCT  
CAGCTGCATACATCACTGCACTTCCA

>trans\_c\_7440 GQ283156|Puccinellia phryganodes voucher L.L. Consaul, L.J. Gillespie, and H.  
Bickerton 3163-4 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; and internal transcribed spacer 1, 5.8S  
ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

CCCCGAAATGCGTTGAGGTGAAAGGATCGAACTGTAAGTACTCTCCACTGCTCCAAAACCAAAACGCTCAT  
CTTTGTTTCTTTCTGTGCTTTGTGGGAAGTGTGTTGGTGGGTCGTCCTCATTTGCGCTCCTAACTGCTATGC  
TCTATAGTTTTAGTAGAGAAACCGC

>trans\_c\_7441 GQ916663|Hordeum murinum 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial  
sequence; chloroplast

AAAGGCGTAGTCGATGGACAACAGGTGAATATTCCTGTACTACCCCTTGTGGTTTTAGGGGACCCTGTTCAA  
CTCTTATTATCTCCATGACGGTGATAGCCCCATTGCTCGTGCTAGATTGTCGTCGTTTAGTGTTGCAGATTAGCC  
TTTTGCTTTTTTCCACGGCTGATCT

>trans\_c\_7442 GQ998409|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 ribosomal protein L2  
(rpl2) gene, complete cds; chloroplast

CAACAAAGACCATGTCTCCTGGGGATAAAAAATGGGAATGCCCTACCTTTGACCGATATGCCCTTAGGCACG  
GCCATACATAACATAGAAATCACACTTGGGAGGGGGGAAGAGAGGGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGT  
CATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCAT

>trans\_c\_7443 EF207448|Kalanchoe daigremontiana inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

AGTATCGTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTCTGAAACCAAGAACAGAGGAAT  
CTTGAGTTCCTGTGTCTACATGTTGGATAGTACAGGTACTTCCCTGTTGAAGGTCGTTGAGCTTTTCCTGGGA  
GTATGGCATGGGTTACTTCAGCGCCGG

>trans\_c\_7444 GQ292530|Gossypium hirsutum cydophilin (cyp1) mRNA, complete cds

GTTCCCGATGAGAACTTCATCAAGAAGCACACATTACCTGGTATTCTATCCATGGCGAATGCTGGACCTGG  
AACCAACGGATCTCAGTTCTTCATTTGCACCGCTAAGACCGATTGGCTCGATGGGAAGCACGTTGTGTTCCGT  
CAAGTCGTTGAAGGTATGGTACACCAC

>trans\_c\_7445 NM\_001055839|Oryza sativa Japonica Group Os03g0203000 (Os03g0203000)  
mRNA, complete cds

AAACCGAGCTCCCCCTCTTCTCAGATTCATCTCGTTGACTTTCCTCAAATCCCATCTCCGTTTCATCCACACTTGA  
CTGATTCTTTGATTTTCCATACTCCATTCAACCCCTTCCGGTTTGTAGTTCCAGTTTCAATTCCCCGCTCCGAGA  
TAATTTTCTCCACCCCTTAAA

>trans\_c\_7446 AF352732|Nicotiana tabacum glutamate decarboxylase isozyme 1 mRNA, complete  
cds

TCCATTCATCTTCATTCTTCTCTTCTTCAACTTACTATTTCTTCCATCTCCATCCGCCATGGTTCTCTCCAAAC  
CGCTTCTCAGACCGATGTCTCCGTCCATTCCACCTTCGCTTCCAGATATGTCCGAACCTCTCTCCCAAGATTCAA  
AATGCCGGAATAAGCTAGGG

>trans\_c\_7447 NM\_114335|Arabidopsis thaliana ATP binding / nucleoside-triphosphatase/  
nucleotide binding / protein binding / transmembrane receptor (AT3G44670) mRNA, complete cds

TCTGCTACCCCTGCTGACAGGGAGGGGGCTGTTGAAGTCATCGGAGTTTGGGTCAGATCTTCGCCGTTTTTTG  
GGTGTGGATTACATTGAAAGGGGTGGTGGGATTATTATCCATATCGGAGAAGAGATTGAAGATAGGTAAG  
AATTCCTCTTGATTAAGAAATGGGAAA

>trans\_c\_7448 NM\_001068689|Oryza sativa Japonica Group Os08g0500200 (Os08g0500200)  
mRNA, complete cds

TCCCTCTCTTCTCAACCATGAGAAACCATTTCTTCAAATCTCCTGCTCGTTCCACCCCGTCTCATTCCCCCCCCG  
CGCATTCTCCGCCGTCTACGGCCTCTGCCAGTCTAATGGAAGAGAACATCGACGTTGCTGAAACCCTAATC  
ACAAAATGGGATTGTACTGCTT

>trans\_c\_7449 AF073744|Cucumis sativus raffinose synthase (Rfs) mRNA, complete cds

GGAGAAGGCGGAGGAGATGTATGAAGGACTTCATTCTCATTTGGAGAAAGTTGGGATCGACGGTGTTAAGA  
TTGACGTTATCCACCTGTTGGAGATGTTGTGTGAAGACTATGGAGGGAGAGTGGACTTGGCAAAGGCATATT  
ACAAAGCAATGACAAAATCAAGACGGGAG

>trans\_c\_7450 AY555490|Cucumis sativus NBS-P14-1 (RGA10) gene, partial sequence

ACTAAGCAGGTATGATAGCCATCTCAAACATAAGACCGCGACTGATCCTGAAAGGAATGAATGGAAAAAGCA  
GCATGTCGTATTAATGGAAAATTCTAGTAATATTTTACCTTACTAGATTAGGCCAACTTGTTGAATTCTTGA  
TGCGGACCGGGAATTACCCTCCCCT

>trans\_c\_7451 XM\_001693525|Chlamydomonas reinhardtii plastid ribosomal protein L7/L12  
(PRPL7/L12) mRNA, complete cds

AACCAGTTATTTCGGATCTTGGCTCGGCAATCTGCTTTTCACTACGATTTCCGAAGGCCAACTTGAGCAAAATA  
TACGGTCGGCTCCGGGCGCCCCATCCATAGGACCCTTCGATTCAAAAAGGCCTCAAAACGGGACGCTCAGTG  
AATACGAACCAGATTGATATTCATCT

>trans\_c\_7452 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

AAAGGAAAGTCTAAAGTATGTAGGTTTCTGCTTTTACCCACTATTTTTTGGTAGTTCGATCGTGGAATTTATT  
TTTTTCTGTATTTCCGGAATATGAGTAAAGTGTATGATTGAATTGATCCTATGGATACGACAGAGAAGAAGTC  
GGTCTAGAACTACTTCTACTAAAA

>trans\_c\_7453 NM\_122180|Arabidopsis thaliana ATCSLA02; mannan synthase/ transferase,  
transferring glycosyl groups (ATCSLA02) mRNA, complete cds

CAAATTTGGAGACAGAATCAACACATTGGAGCTTGGATTGTCAGCATTCTTGTCTTATGTGGTTGCTATGACT  
TTGTTTCATGGGAAGAACAATTACTTTATTTACCTTTTCCTTCAGACATTCAGCTTTCTGATCACTGGAATTGGAT  
ATGTTGGAACCATCATCCCGAGC

>trans\_c\_7454 FJ416481|Oryza sativa Japonica Group isolate 4 5' flanking region of transposon Ds  
insertion site

GATGAATTTGTTGAATACCTGAATGAGAATGGCATAATCCAGAGTAGTAGTCAGTCAAATGATTGAGTCAAA  
TAAGGTGATATGCTACTGCAACTGGTTTGGGATTATTCAATATTTATGTTGGTGTGATTTGAATACCCCTCTCT  
GGTTGAACAGGCAGGCCTGCCAATA

>trans\_c\_7455 AL161493|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 5

GATATCCTTTGACGCGCGAGCTTGTGAGGGGCGCGCCAGGCCCAAGCAGTAGTGCAACGCAAGGGCGACGC  
TCGAAAATTTTGGCCCGGGGCTATTGGGATGGGCCCTCCCCCTAGAAAAATAAATTTAATATCATGTGGGCCG  
ATCACCTGTTGTCCATCGACTACTACGG

>trans\_c\_7456 AF287932|Rayleya bahiensis NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial  
cds; chloroplast gene for chloroplast product

AAGGATATTTGAGATTTTTTTCGGCGCGGAGTTTGTTCATACGTCAATGTTGGGATTAGTTACTAGTTTGAAT  
TTGATCCAAATTTATATTTTTTGGGAATTGGTTGGAATGTGTTCTTATCTATTAATAGTTTTTGGTTCACTCGA  
CCTACACGCCGTCCGTTCCACAG

>trans\_c\_7457 XM\_002875416|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase, mRNA

AAGATAGTTTTCAAGATCACGGAGAGTGGTTTGCTGAAGTGAATTTCTGGGCCAACTTGTTCACTCTCACCTT  
GTGAAATTGATTGGCTATTGCATGGACGAGGAGCAACGGCTGCTCGTGTCTGAATTCATGCCTCGAGGAAGTT  
TAGAAAATCATCTGTTCTTCGGGG

>trans\_c\_7458 AJ968379|Crotalaria juncea partial mRNA for phi2dhs1-Cj pseudogene

CGTTCAAAGACTCGGTGGTTCGCGTAGGGATCAGATTGGAAGAGATGTGAGTGCCCAATTGTCGTAACCAGG  
CGTTGGGGCATCACATTGGTAGCGTAATATATAGCGAGAGCCAACCACTCATCATATCCCGTTTCTGCCTGAA  
GGTTGTCAGACGAACGATTTGCACGTC

>trans\_c\_7459 AF165159|Glycine max carboxyl transferase alpha subunit (accA-3) mRNA, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

GATCAAATTGATTCACTCGAAAACAAGTATGAGATGGCTCTTAAAGATTGTACACCCATTTGACACCGATTCA  
GCGATTATCAATTGCACGACATCCCAACAGACCGACAGTTCTTGATCATATATTCAACATCACAGAAAAGTGG  
GTAGTTGAGGTACCTCTCTACATCA

>trans\_c\_7460 AJ307662|Oryza sativa genomic DNA fragment, chromosome 2

AGGTGAATATCGGGCCACATGATATTAAATTTATTTTCTAGGGGGAGGGCCCATCCCAATAGCCCATAATTG  
GGGCTTTCGAGCGTCGCCCTTGCGTTGCACTACTGCTTGGGCTGGCGCACCCCTCTATGGACCCGGGTTCAA  
ACAGCTCGCTTGCAAGTGAAGCAGGA

>trans\_c\_7461 XM\_002304152|Populus trichocarpa cc-nbs-lrr resistance protein, mRNA

AAAGCAAGTTCAGCTTCTTGACTGGAATCGGTTCTCGATCCAGCCAAAATTTACTCAAAACCTTGCGATATC  
GAATTCTCCAGCATCACTCGTCTGAGATTCTTGCTTTTGGATTCTCAGGCCCTTCTTATTGCTGGTACATTTGG  
GAACCACCGAGTCTTTGAACGCA

>trans\_c\_7462 GQ997970|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 photosystem II  
protein K (psbK) gene, complete cds; chloroplast

GTAGTTTTTTCGTCGCCAAATTGCCCCAGGCCTACGCTTTTTTGAATCCATATCATCTACAATACGGTCATTATG  
GAGATAAGAAAAAAGATAATCGAAAACAAACCGTTTCGACGACATTGAAAAGCTATTATAAAAATTATGACAG  
GCTCTGTTAAGTACTAAATGAAGC

>trans\_c\_7463 XM\_002890819|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 4  
(ERD4), mRNA

TACCGATCTTTCGCCAACACTGCTCTTGAAGTTGCTCGTAGCAGACCAAAGGAAGTCCCAACATGGAACAAG  
TTTTCAGATCTTTCGTTCCACCGAGTTTGAGCTCCGAGAAGGTCGAAGATGACCACTTTGAAGATGCACGATCT  
CAGACGCTAGAGATGAATAGTAAAC

>trans\_c\_7464 XM\_002958627|Volvox carteri f. nagariensis NADH:ubiquinone oxidoreductase 49  
kDa subunit (nuo7), mRNA

TGGCTTTGCCCATTTACAAGGACTCGATTTTATGTCCAAACATCACATGCTAGCGGATGTGGTCACCATCATAG  
GTACTCAAGATATTGTGTTTGGAGAGGTAGATAGATAGGACTACTAGTTGCTCGATCAGGGCCAACGCTTTAT  
TGCGAGCCAAAAACCTTGATACTAG



>trans\_c\_7465 DQ629279|Huperzia selago large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

GTCTAGTCGGCACCTTTTTTCCAAAAGGCTAATCTGCAACACTAAACGACGACAATCTAGCACGAGCAATGGG  
GCTATCACCGTCATGGAGATAATAAGAGTAGTCCAAAAACGGGAGTTTTGCAACAAGGGGTAGTACAGGAAT  
ATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCC

>trans\_c\_7466 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

ATGGCCTTACCACTCGGTCCCCGATGGACTGCGGGGGATTCCGGTATAGCAGCTCACGTTTCGGTTGCGCTGCGC  
CTTCCCCTCGTCTGCTCTGTAGGAAGTATGGTCCGAAAGTGACTGCGGTTCCGAGTTCAGGCTCAACTCCT  
CGCTTGACGTTAGCGGACCCACAGG

>trans\_c\_7467 DQ629324|Araucaria araucana large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

AGATCAGCCGTGGAAAAAGCAAAAGGCTAATCTGCAACACTAAACGACGACAATCTAGCACGAGCAATGGG  
GCTATCACCGTCATGGAGATAATAAGAGTAACTTGTGGGTCCCCTAAAACCAACAAGGGGTAGTACAGGAAT  
ATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCT

>trans\_c\_7468 DQ522645|Mesechites minimus maturase K-like (matK) gene, complete sequence;  
chloroplast

CCATAAAAGAGATGGGGAGAGTACAGTGTAGTTACTCCCATGATCTCAAATAGTAAAGAACTGTAAGAGAAA  
GTATGAAAACAGGACGTAACACGCTTGATATTGCTTCAAGGGAACGAGTCAAATGGGAACTGATTTAAGTCG  
TCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCCG

>trans\_c\_7469 EF030602|Chlorella sp. HvKRAN 16S ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

AGGCAATAGCTTACCAAGGCGATGATCAGTAGCTGGTCCGAGAGGATGATCAGCCACACTGGGACTGAGACA  
CGGCCAGACTCCTACTTTCTCGTCGAGTGGGGAATTTTCCGCAATGGACGAAAGTCTGACGGAGCAACGCCG  
CGTGAGTGATGAAGGTTTTCGGGTCGT

>trans\_c\_7470 Y17192|Cucurbita pepo mRNA for peroxidase

GCGCTTGTTGAAAAGCCAGTGGCGCGAAGCTACCGTGCCTGGATTATGCTGGCTTCGAGTCCGAGCTCAA  
CGGACTTGAAAATTTAGGAATCCAAGGACTCGAGATTGTGACGCTATCAAAGCAGCCGTCGAGAGAGAATA  
TTTCGGCGTTGTCTCTGTGCCGATAT

>trans\_c\_7471 Novel Gene

AAATGGGATTCTGATGCAATCAAGAATTCGTTACTTTTTTTTATTATAATTTTTTGCATTCTTTCTTTCTATA  
ATCTACTGCCCTCTTATTCAATGCAATCATCTGATGAAGTCTCATCAGACTACCTTTACCCTTACCTTGGAGCGT  
TTGTGAAGAGAAGTGTCAA

>trans\_c\_7472 DQ171998|Aristida floridana voucher Cerros 2378 RSA internal transcribed spacer 1,  
5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

ATTCTACCAAGAACACTTTATCTTCAATTCAGTCTGGGTGTTGCAAACCGGCAGATGAGTGTAATTTACGTAC  
AAGACACCGACTCAGTGGGATAAACCGGACCCGGTTTGTGAATTGCAGAATCCCGCGAACCACCGAGTCTTT  
GAACGCAAGTTGCGCCCGGAGCCTT

>trans\_c\_7473 EF207444|Daphniphyllum sp. 205-82 inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

AACATTTATCAAATTTCAAAAAGGGTCAGAAGAAATGGTTCGATCCTCTTATTTTGATTCTCGAACCGAGAGA  
TCCATGAATCGGGATCCTAATGCATATAGATACAAATGGTCCAATGGGAGCAAGAATTTCCAGGAACATTTCA  
TTTCTGAGCAGAAGAGGGTAAAG

>trans\_c\_7474 XM\_002332923|Populus trichocarpa cc-nbs-lrr resistance protein, mRNA

CCTCAGCCTGCAGCCTTGGAAGAAAAATAACAGTAGTTCACCCGCAACACCCTAAAACGCCTCGTGTAAGCC  
TCTTTCCTACGAAGTCCAATGAGTCGTCTCCTACCGAGCACTCACACCATACCGCTGTATGTTACTGCCCATATT  
ATTTGAGACAACAGGATCTTATT

>trans\_c\_7475 XM\_003078842|Ostreococcus tauri acyl desaturase (ISS) (Ot04g03720) mRNA,  
complete cds

AAAACATTTGAAGTACCATTTGGGCAGCTTGCATCTCAGCTCAAACATTCTTTTCAAGGTATCTTTAAGCCTGT  
GTAAGAAGAAGAAACATAGAAGGAAAATGCGCCAATCTGCCGTCTCCAGATGTCCCACTGGGGAAAGTTTGT  
TCAGTAGAGTAGATATGTCATCCAC

>trans\_c\_7476 AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

GACTTAAATGACAAGATTGCTGAAAGCCAAAAGGTCTGAAGAAGCACTTAGAACTACAGCAACTGAGCTTTCT  
GCTGTCCAGGGAGATCTAGAGCTTTCAAGAACTCAAGTGCTAGACTTGGAGAAGAACTTTCTACAAAGGAA  
GGGAATCAACTTCTTAATCAGACTTCC

>trans\_c\_7477 X07991|Cucumber (Cucumis sativus) ribosomal DNA spacer

TGAACCGTTAATCACGCTCTAACCTCAAGGCAGTAGATCATCCACCAGACTTTGGTTCTTGTCTCCTTAGAACTC  
AAGGACACACAAGTGAATCTCCATGTCAGGGTGCCGACAGCGCACGGTAGCTTCGCGCCACTGGCTTTTCAAC  
CAAGCGCAATGACCAATTGTGCG

>trans\_c\_7478 XM\_001781425|Physcomitrella patens subsp. patens KNOX class 1 protein, MKN4  
(MKN4) mRNA, complete cds

AAAGTGAGAGTTTCAGAGAAGGAAGGAAGGGGCTTTTGTTTTGAGAGTGATGAGAGAGCTTGAAGGGCTG  
CTTTTCTGAGCTTGTTTCTTTTAGATTCTGAGTTCTTGGTTGTTTCTTTTGATTCTCACTCTAATGGATACC  
AAAGGTCGAACTGAACGACCAAAG

>trans\_c\_7479 Novel Gene

GTCCGAAGATAAGATGCTGCTTGTGATGTAGAATCATATACCATTCAATAGAAAATTCTGAAAATGCCT  
GTCTGTAGTATTAAGGATTCTATCGGTTATTGGCTTCGGGCTAGAAAGCGAAGATTGGGTAAATGTGAATCC  
GACTGGTTGGTTTATAATAATTTA

>trans\_c\_7480 EF207271|Hibiscus dongolensis maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

CCCGGGGTCGCGCCGACATCCAGCATAAAGGAAGACTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCATTTTTTCTAAGTCC  
TAACTATTAGTTACTCTACGTTATGAGGTAGAGGGGAATGTGTAGAAGAAGCAGTATATTGATAAAGAGGGG  
GGGGAAAAAATCAAAAGAGCGAAAA

>trans\_c\_7481 AC239778|Solanum tuberosum, complete sequence

TTTCTTGCTCTCCCTTAGCAGCGGGGAAGGAGTCTATCTATCTGCCTAGCTTTGGTAGATTTCTCCAACGCAA  
TCCACAGAAATGAAAGGAATCCCTTCCCTTGGTGGATAAGTCCGACGACGGAGCAGCAGTGCGGAATTGACT  
TTCTCGTCTGGTGGATCTGATCTAT

>trans\_c\_7482 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

TACCCGGGCCCTGTACATACCGCCCGTCACACCCTGGGAATGGTTTTGCCCCGAAGCATCGGACCAATGATCA  
CCCATGACTTCCGTGTACCACTAGTGCCACAAAGGCTTTTGGTGGTCTTATTGGCGCATACACGGTGGGGTC  
TTCTCAGTTTTGTCCTGATGCGTGG

>trans\_c\_7483 DQ084026|Zea mays magnesium chelatase subunit I precursor (ChII) gene, ChII-W22 allele, partial cds

GGAAAAGACTCTAAATACCTCATAAAATTTCTCAATGACAAGTAAACCAGAATCAATAGACTCCAATGGATCCT  
TTCTAAGACGATGTCTTAAGCAGTTGGGAATGACGGTAGCTATGTCCTCAGCAGCAACTTTATCCCTTCCCTTT  
AGAGCTGCAAGAGCCTTAGCAGC

>trans\_c\_7484 GQ998791|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5) gene, complete sequence; chloroplast

CCAGCTTGACCAATATGAAGACTGATAATCTCCCTCATCCCGAATCAAATCCAATCTCTCTCAAGGAAGGGAA  
GGATCCTCTGAAGGTTCTGTTTGGTTCTGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACGCACT  
GCACTTCCACTTGACACCTATCG

>trans\_c\_7485 NM\_124725|Arabidopsis thaliana GLT1; glutamate synthase (NADH) (GLT1) mRNA, complete cds

GCTGTGCCTGAGAAACCTCTTGGTCTTTATGATCCTTCGTTGATAAGGACTCCTGTGGAGTTGGGTTTGTTC  
TGAATTATCCGGCGAAACCAGCCGCAAAACGATTACAGATGCTTTGGAAATGTTGGTTCGTATGTCACATAGA  
GGTGCTTGCGGTGTGTGGGTGGGC

>trans\_c\_7486 NM\_112559|Arabidopsis thaliana glycoside hydrolase family 28 protein / polygalacturonase (pectinase) family protein (AT3G16850) mRNA, complete cds

AGATAGAAAATGGCATATTGGAAGGCAACGGTGTTGAGAGTTTTTCCGTTTCCAACGGCCCCAACTCCAAGA  
TAGAAACACTGTGTGGTCTTGGATCTAAGGTTGGTTTAGAATCGCACTGTCCCGCGAGCTCTCACCGATTATT  
CCTGCAGCATTGCTCAATTGTAG

>trans\_c\_7487 GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

GAATTCTGTCGTCCTGCCCACTGCAAGGACTAGGGCTCCGCTAAGAGACACACGGTGGTCACAAGTAATCCG  
ACCAGCTAAAATCCCCGTTATGGTATCTCCGCGCGGACCTATACCCGGCCGTCGGGGCAAAGATTGAATTTT  
TATTCTGCGGAAAAATATTTAATTT

>trans\_c\_7488 AY189081|Lagoecia cuminoides 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGTTTCATTCATCAAAAGCCTTTACAGATAGTGATGTGTGTGCGATTAGATGTATGAATTGAATGAAAGAGGA  
GATGATGGTAGAGGTAACGTACTGATGAAACAGGCCAAATACCCTGTCGGCATATTAAGTCGTCTGCAAAGG  
ATTCTACCAATCGCTCGGTGGGAAT

>trans\_c\_7489 FJ895902|Cynomorium songaricum voucher JLI 6001 Ycf68-like, 23S ribosomal RNA (rrn23), 4.5S ribosomal RNA (rrn4.5), and 5S ribosomal RNA (rrn5) genes, complete sequence; chloroplast

GCGCTGAAGTAACCCATGCCATACTCCAGGAAAAGCTCGAACGACCTTACTTGAACAGGATCTGTTCTATAG  
GTTGTACATCTGTGTCCTTGAGTTCTAAGGAGACAAGAAGGTTTCAGACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTT  
AAACTCTACTGCGGTGACGATACT

>trans\_c\_7490 NM\_102773|Arabidopsis thaliana ERD4 (early-responsive to dehydration 4) (ERD4) mRNA, complete cds

ATCCGACCGTCGGGTCCAGGAGTAGGAGCCCGTTTGCTTGGATTACGGAAGCTCTGTCTTCTTCCGAGAAGGA  
TGTGATCTCTATGTCCGAGTTGATACTGCTGTTTACTTTGTGTTTTTGGCCACTGTGCTGGGGATTTTTGTGTT  
GTCTGCACATCCCTCAGACGGA

>trans\_c\_7491 EF364432|Vitis vinifera aquaporin PIP1;1 (PIP1;1) mRNA, complete cds

TCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAAGCAATGACAGGAGTTAACGCTGGCGGTGATGGTTGGGTCCATGTG  
TTGGGTCCACACACCAATTCTGCTTCACATATCGCAGAAGAGACTCAAGCAATGACGAAAGTTAACGCTGGCGG  
TGATGGTTGGGTCCATGTGTTGATG

>trans\_c\_7492 AB041517|Nicotiana tabacum NtElG-A1 mRNA, complete cds

GCTGGCTGGACAGTACCTGCAAACGGCGTCGCTTTCTATGAATCCTGGGCTGCCGGAACAACTTTCCATGTGCG  
GTGATTCTCTCGTTTTCAATTCAGGACGGGTATGGATGAAGTGTGAGAGTTACGAAAATGGGGTTTGATAT  
ATGCAGTGACGACAATGTGGTTGG

>trans\_c\_7493 AF479108|Cucurbita pepo 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TTTGGGAGCCCTCCCTCAGCCTCAGGCCATCCCAAAAAAAAAAATTGATTCAGACCATCTCTTTCGCGATCGTAT  
CGGTCGATACTTTCATTTCAAAGCGAAAAAAGAAAGAGAGAATCACTCGATTCCCGTCTCAATCCGCATCGG  
TCCATGCCCCAAGTCGATTGGCG

>trans\_c\_7494 X75799|C.sativus chloroplast gene for tRNA-Leu

TCGTGTTCAACCTGAGTCCTCTTCAAGGCATAATGTTGAGAATGCCCGTTGAATTGGAAGGAATAAGTTCGGC  
AGCGGATCACGAAATCTTGGCGATCTTCTCTATCTAATGAATGGGAGTCCGCTTGAAATCGTCCGCCCTGCAC  
CCACCCCCGAGTATATGCTTCA

>trans\_c\_7495 AY727946|Manilkara zapota 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAATTCTGTCGTCCTGCCACACTGCAAGGACTAGGGCTTTATCGGAGAGTGTGTAACAACCTGTGGACGGCTTA  
GTTGATCGGGGCTTTTACCTACCATAGTCCGCGCGGACCTATACCCGGCCGTCGGGGCAAAGATTGAATTTT  
TATTCTGCGGAAAAATTTTAATTT

>trans\_c\_7496 AF082030|Hemerocallis hybrid cultivar senescence-associated protein 5 (SA5)  
mRNA, complete cds

ATTCTACCAAGAACAACCTTTATCTTCAATTCAGTCTGGGTGTTGCAAACCGGCAGATGAGTGTAATTTACGTAC  
AAGACACCGACTCAGTGGGATAAACCGGCAAATGTTTCACTGGGGGAGAATCCCGCGAACCACCGAGTCTTT  
GAACGCAAGTTGCGCCCGGAGCCT

>trans\_c\_7497 AB182927|Citrullus lanatus mRNA for translationally controlled tumor protein,  
partial cds

TTGGGTCTTCCTGACAAGTGCTGAAAGAACAACAACTTTGGAGCAGAATGCTTCATGTAGCATTATTAGTTTCT  
ACTATATTTGCCTTTTTCTCATGACATTTGAATTTGGATGGTTTGGGCTGTTTTGGGGGTGGGCCCCCAAACC  
CCCTTGGGGGTTTTCCACCCG

>trans\_c\_7498 GQ916662|Allium ampeloprasum 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene,  
partial sequence; chloroplast

GCTGGGCCGGTCAAAAATGCGTTATTCTTGTTGGCGTTTGCCTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCG  
TCCACAACGTACTATATCAGGTCCTTCTCTCCGAATTTCCATAGGGGGATGCGATGCATTTTGACATCCCAC  
AGCTTCGGCAGATCGCTTAGC

>trans\_c\_7499 GQ338763|Populus sp. FZ-2009 chloroplast glutamine synthetase (GS2) mRNA,  
partial cds; nuclear gene for chloroplast product

AAAGTTGTGGATGAAATTCCTTGGTATGGCATAGAGCAAGAGTACACCTTACTTCAGACAAATGTGAAGTGGC  
CTTTAGGTTGGCCAGTTGGAGCTTATCCAGGTCCTCAGGGCCCTTATTACTGTGGTGTTGGAGCTAGCGGCAG  
TAAGCCAAACACGTATATGAGCCG

>trans\_c\_7500 EU599037|Solanum tuberosum starch-granule-bound R1 protein (R1) mRNA,  
complete cds

TTGTGCACTCGGTGGAACCTGACTGCTGGGCACTAACATCAACCTGCAGTTCAATATTCTCATCCAGTTTGAAC  
TTCGCACTAGCTCGGAAGCAGGATCCGTGGCTAATACAGCACGTGTGTTAACAGGAAAGCTGTGGCGACCT  
GTTCCGGTGGCCATCCTTGTTTT

>trans\_c\_7501 EF207452|Penthorum chinense inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GGCATCGCCCGTGGATCGGATTTTGCAATTTTTCTTCTGCAGTACCTCGACGTGACATGAGCGTGAAAGGGG  
TTCAAGAATAAGTTTTCTTTTATAAGGGCTAAAATCATTTATTTTGGCTTTCCACAAGCCAGTTATCCCTGTGG  
TAACTTTTCTGACACCTCTAGC

>trans\_c\_7502 X62100|T.aestivum ND6 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase (subunit 6)

AACAAAACGGAATGTACCGGATTTTTAGCACGTACAACCATCAAACAGAGACCAAAGCTAGGCTCGACAAA  
ACGGAAAGTATCATGGTACCTCGTCCTTCCCTGAAATGGAACAAACATGCTGGAGCAAGAACTAGCATGAAA  
GTCGATCTATTACAACCAGCGCGGTT

>trans\_c\_7503 EU308519|Heliosperma alpestre ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; acetyl-CoA carboxylase beta subunit (accD), PSI reaction centre subunit VIII (psal), ycf4 protein (ycf4), potential heme-binding protein (cemA), cytochrome f (petA), PSII reaction centre subunit X (psbJ), PSII reaction centre subunit XII (psbL), PSII reaction centre subunit VI (psbF), PSII reaction centre subunit V (psbE), cyt b6/f complex subunit VI (petL), and cyt b6/f complex subunit V (petG) genes, complete cds; tRNA-Trp (trnW) and tRNA-Pro (trnP) genes, complete sequence; PSI reaction centre subunit IX (psaJ), ribosomal protein L33 (rpl33), ribosomal protein S18 (rps18), and ribosomal protein L20 (rpl20) genes, complete cds; ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds; ATP-dependent protease proteolytic subunit (clpP) gene, complete cds; PSII 47kDa protein (psbB) gene, partial cds; and PSII T protein (psbT) and PSII 10kDa phosphoprotein (psbH) genes, complete cds; chloroplast

AAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGGGCTCGACGGGATTGGAACCTACGACATCGGGTTTTGGAGACCCGCGTTCTACCGAACTGAACTAAGAGCGTTTTATTATCAAATAAAAGCAACCCGAATATATCTTCGATACATATATTATCATAGAGATATAACGC

>trans\_c\_7504 XM\_002308621|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

TCAAGACTAAACGACAGTGGCATGGGGAAGATGCTGAACTATCTACTTCTGCGAGACACGAGTCTCAACCTATACCACTCCTTACAAATGGCCAATCAGTGTCTGGAGAAATTCCTGTGCTACCCCTGATAATCAATCAGTGCGAACACATCTGGTCTCCCAAAAGG

>trans\_c\_7505 AB252057|Brassica napus gene for 16S rRNA, partial sequence

GGGGCCCGCACAAGCGGTGGAGCATGTGGTTTAATTCGATGCAACGCGAAGAACCTTACCTGGCCTTGACATACAGAGAACTTTCCAGAGATGGATTGGTGCCTTCGGGAACCTCTGAGACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTGAAATGTTGGGTAAAG

>trans\_c\_7506 GQ130376|Fimbristylis squarrosa voucher Jung 807041 (AJOU) ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; plastid

GACCCTCACCGTCCGTAGGTTATGAAATAACTCGACTGATAAGGATCAAAGAATTATCTCAGAATTTTCAAGCTCATTCTTATTCTTCCAATGTTAATGTTTCAGGAGTGCATTATGTTTATATGGATTTCTTTCGTTGCACTCCTGTTAAGAATAAGGAATTCGCCCT

>trans\_c\_7507 DQ673261|Menodora longiflora rps16-rpl20 fragment, chloroplast

AAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGCACGCTCTGTAGGATTTGAACCTACGACATCGGGTTTTGGAGACCCGCGTTCTACCGAACTGAACTAAGAGCGTTTTATTATCAAATAAAAGCAACCCGAATATATCTTCGATACATATATTATCATAGAGATATAACGC

>trans\_c\_7508 AB239402|Morella rubra DNA, microsatellite, myrica1001F

CCGGCGCTGTACTTTGAAGAAATTAGTAATTAAGCTTTTTATGTATAGTAGCTTTGGTTGGAGGCTATGTGTGTGTGTGTGTATGCAAGTCCCAACCTGTTTCATGGCTACATTTCTAAATTTTATGAAATAAGGCTGGTTTTATATCTGCCTTCCCTTTTGCTT

>trans\_c\_7509 DQ629337|Nymphaea sp. Qiu 91029 large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GCTGTTTACCAAAAAACACAAAGAGAATGTTTGTCTGTAAGACCATGTATGGGGGCTGACGCCTGCCCAGTGCC  
GGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGTGGACAACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAA  
CGCGATAGGCGCGCGGAGGTGTG

>trans\_c\_7510 XM\_002871049|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

TTGTTAGGGAATGGGTACAAATGACAAGTCAACAAAGAGGAAGTCGTGGGGAAAGAAGAGAAGATCGAGG  
AACTGGACGTGGTGCACAAGCTGATAGAAGCCGTGATGCATTGGTTGCCGACCAGGATGAAGGACAAAATG  
AACACATTCGCAGAGACTTACCGGAACC

>trans\_c\_7511 AY527193|Citruillus rehmii voucher NAM1887\_2 NADH dehydrogenase subunit F  
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

CGGGGCGCAATAATCGCCTGTTCCACAGCAGGATTAACAGCATTTTATATGTTTCGCATCTACTTACTTCTTTT  
GATGGACATTTAAACCTTTATTGTAAAACTATAATGGAAAAACAAATAACTCCCTTTATTCAATATCATTATG  
GGGTAAAGAATTCTCTTTTT

>trans\_c\_7512 CP000593|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 13, complete sequence

AGACAGTTCAACAACGACAAAAAGAATGCTCTAAAACCTCCTCGTCGGACAAGGATTTGTTGCAGCTAATAAT  
GGAAGCCACCATCAATGACCCAAATATTGGAGCCAAGGACTCTTCCAAGAACTTCATTGTTGACAACTGCCAG  
AGGTAGAACTTCGTTGGCACGTC

>trans\_c\_7513 EF135615|Rafflesia keithii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGAATGCAGCTCTAAATGGGTGGTAAATTTTCATCTAAAGCTAAATACTGGCCGGAGACCGATAGCGCACAAG  
TAGAGTGATCGAAAGATGAAAAGCACTTTGAAAAGAGAGTTAAACAGCACGTGAAATTGTTGAAAGGGAAG  
GGCTTGAGATCAGACTTGGTATCAAA

>trans\_c\_7514 NM\_001066812|Oryza sativa Japonica Group Os07g0616600 (Os07g0616600)  
mRNA, complete cds

GAGAACTTCAGCTGGCTGCCAGAGTCATTGTGGGTATTGAGAATCCACAAGACATCATTGTTTCAGTCTGCAA  
GACCTTATGGTCAGAGGGCTGTCTTAAAGTTTGCTCAGCACACTGGTGCTCATGCTATTGCTGGAAGGCACAC  
TCCTGGAACATTCACCAATCAGC

>trans\_c\_7515 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

GGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTCATTCTTGGGTGTGCAAATGTGGTGGCAGG  
AGCAGGATCGGTCAAATCGTCCGCAGGTACATAAACAGCTTGAATAGAAGTTATGGACCCTTCCTTGCGTTAG  
CATCCGCAGGGACCATCGCAATG

>trans\_c\_7516 BT015172|Arabidopsis thaliana At3g10300 gene, complete cds

TGGTGGTCATGGTTATCCACCTCCTTCTGCTTATGGAAACCCCTTTTGCTTCACTCTTGCCATCGGCTTTTCCGCCT  
GGTACTGATCCGAGCATCGTTGCTTGTTCCTTCAAGTAGCCGATCAGGATGGGAGTGGGTTTATTGATGATAAGG  
AGTTGCAAGGTGGGACACTG

>trans\_c\_7517 EF463731|Equisetum telmateia ATP synthase alpha chain (atpA) gene, partial  
sequence; chloroplast

AAAACAACACACTTTAATCATTTATGATGATCTCTCCAAACAAGCACAAGCTTATCGACAAATGTCTCTTCTTTT  
ACGAAGACCGCCGGGCCGCGAAGCTTATCCGGGAGATGTTTTTTATTTGCATTACGCCTTTTGAGGGAGATT  
ATCGGATTAATAAAGGGAGGGG

>trans\_c\_7518 FN563082|Pseudoscourfieldia marina plastid partial 23S rRNA gene, strain SCCAP K-0017

GGCGAATTCAGTGATCCTATGCTGCCAAGAAAAGCCTCTAGTGAGTTCACACACGGCCCGTACCCCAAACCAA  
CACAGGTGGTCAGGTAGAGAATACTAAGGCGTACGAGATAACTATGGTTAAGGAACTCGGCAAAAATACCCCC  
GTAACCTTCGGGAGAAGGGGTGCCT

>trans\_c\_7519 X92722|G.gnemon cox3 gene

CATACCAAAGTCGTACAATTAGGACTTCGATATGGTTTTCTTCTCTTTATCGTATCGGAGGTTATGTTCTTTTTT  
GCTTTTTTTTGGGCTTTTTTTCATTCTTCTTGGCACCTACGGTAGAGATCGGAGGTATTTGGCCCCCCCCCTTTC  
GGCCCCAAAATCTAGGAA

>trans\_c\_7520 Novel Gene

TGAGCTTGTTTCGGCCAACCCAATCTCGATGAAAAAGCAAAAACGTGGGCAACTACATCAAAAACCTCTATT  
CCTGAAGTCAACTCTAGTCGCTCTCGCTCCGCTCATATACTATTCTCAAGCGAGAAAAGCATGAAAATCAGAAA  
TGGTATACTCGTCTGCCTGATT

>trans\_c\_7521 FN811162|Camelina sativa partial tub15 gene for beta-tubulin, exons 1-3, isolate CstUB15

CAAGGTTTCAGACACAGTTGTAGAACCATAACAATGCCACTTTGTCTGTTTCATCAACTTGTTGAGAATGCTGATG  
AATGCATGGTTCTTGACAATGAAGCCCTCTACGATATTTGCTTCCGAACACTCAAGCTTGCTACTCCAACGAAA  
AAAAGATCAGGTTGTTGGCGA

>trans\_c\_7522 AF421558|Glycine max translationally controlled tumor-like protein mRNA, complete cds

AGGTGAATATTCCTGTACTACCCCTTGTTGGTTTTAGGGGTGGGACAAGTCCTGGAGCAAAGACCACTGCTCG  
AAGAGAGCCTAAGCAAAGGTATCAAGGAAATTGAGAATGGAATGATTTGGGAAGTTGAAGGAAAGTGGGTC  
GTTGGGAAGATGACCAGCACAAAGCG

>trans\_c\_7523 EU930861|Juglans cinerea marker CAPS10 genomic sequence; plastid

CGGTCGGCACATAAAAAAACGGCTGGCGGCGGGGAGCAGGCAGAGTCCTGGCCGCTATGCTATATCTATAA  
GAGAACGTAAAAATGTATTTGAATATCTTGAGTTGTCGAAGTGAAGATTATTTTCGTATTATTTAATGAGCATC  
TTGTATTTCATAAAAATTGGGG

>trans\_c\_7524 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

TCGGGCGGATTCTATCCGTCAACGCTCAGATGGCCCTTCCCGTTGCTTTTACAGAACTTCCCTCCTGTATCAGC  
AAACCATCACCCATTAATACAACACCAACATTATTTGATTCTAAATTTAGAGCTATGCCTATAGTACCCTCTTCA  
AATTCTACTAATTCACCTG

>trans\_c\_7525 Novel Gene



CTAGACCTAGAGTAGTGTGAAGTTCCATCTATCAATGTCGCCTCACCTCTGTCCCGTGTATACGAGTTCTTGAA  
AGTAAAGGAGCAATAACCAATTTCTGTTTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTTAAAGGAAAGAGATCCA  
TGGTTGAAGCAGGATCCCCC

>trans\_c\_7526 NM\_001062152|Oryza sativa Japonica Group Os05g0429400 (Os05g0429400)  
mRNA, complete cds

TGTAGCCAAGCCTTCTGGTTTGGGAATTGAGAGTTGTAGGATGGGATGTCAGCGCCCAGTGCTGAAGGTGGC  
TATACTGTGATTGTACAAAAGACAACGAAGCTTGGGCCAGCTGATGAACCTGTGATTTCCAACAGCTACAGGG  
TTGGCGAAGCTGGTAAAATTGTG

>trans\_c\_7527 AB107919|Pisum sativum PsAUX1 mRNA for AUX1-like auxin influx carrier protein,  
complete cds

ACCTCCAGATTGGAACTAGGTCTTTATGAATACGGCAGAGTTAACAGAACCTGAGCAACTTGATTAGAAGCG  
CAACTGAACCAAGCATCCCAAGCAGAGCCACCATGCCAGAGGATGTTTTTTACTGAAAAGAGACTGAGATT  
CTTTATCTTCTTCTTTTCCTTC

>trans\_c\_7528 FJ830452|Glycine max 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase 1 (DXS1) mRNA,  
complete cds

ACCACCATCTCAGCAGGCTTAGGAATGGCTGTGGGAAGGGATCTTAAGGGAAGAAAGAATAATGTGATTGCA  
GTAATAGGTGATGGTGCCATGACTGCAGGGCAAGCTTATGAAGCCATGAACAATGCTGGGTACCTTGACTCG  
GACATGATGTGGCAAGAAAACAGT

>trans\_c\_7529 GQ916670|Retama sphaerocarpa 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene,  
partial sequence; chloroplast

TCTCCGCTGTATCTCGATCTCAAGGCAGTAGATCATCCACCAGACTTTGGTTCTTGTCTCCTTAGAACTCAAGG  
ACACAGACACGTGGTTGCGGTACAGGTAATCCCTGTTGAAGGTCGTTTCGAGCTTTTCCTGGGAGTATGGCAT  
GGGTTACTTCAGCGCCGTAGC

>trans\_c\_7530 DQ629277|Leiosporoceros dussii large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

TTACCCGACAAGGAATTCGCTACCTTAGGACCGTTATAGTTACGGCCGCGGTTACCGCCCCGTCCGTGAATG  
TCCTGTCTGTGTCATCAGGTCACCAACTTCCTTGACCTTCCGGCACTGGGCAGGCGTCAGCCCCATACATGGTC  
TTACGACTTTGCGGAGACCT

>trans\_c\_7531 EU017137|Passiflora biflora photosystem II protein D1 (psbA) gene, partial cds;  
chloroplast

GTAGTAGGTATCTGGTTCACCGCTTTAGGTTATTAGCACTATGGCTTCAACTTAAATGGTTTCAATTTCAACCA  
ATCTGTAGTTGATAGTCAAGGTCGTGTAATTAATACCTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCT  
CAAAGATTAAGCCATGCAT

>trans\_c\_7532 GQ265892|Capsicum annuum cultivar Nockwang mannose-binding lectin (MBL1)  
mRNA, complete cds

CCGTTGAGTATGATGGAACCTACAGACCCCTGAGCATCTCCAACCTCCCATTTCAGCTCATGTTCTACAACACA  
ACGCCAAATGCATATACACTCGCTCTTCGAATGGCGATTCTACGCTCTGAATCCGCTAAGCGTTCCCACACCCCT  
TCGGTTAGCGCGCCGAGGTC

>trans\_c\_7533 Novel Gene

GGGGGCCCCGCACAGATAACAAGATGCACAACCCGGCCTAGCATGGGATAAAGAACCTTACCAGCCCTTGACA  
TATGAACAAGAAAACCTGTCCTTAACGGGATGGTAATTTTCATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTG  
TCGTGAGATGTTTGGTCAAGTCC

>trans\_c\_7534 GQ997939|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 envelope  
membrane protein (cemA) gene, complete cds; chloroplast

GGGTCTGTGTCAAGAATGACTGGAAAAGTGGAAACAAGACCGGATATAATTTGATCGTTATGAGAAAATCCA  
AAATCTTTGTAGACAGAACCAATCATTAGTTCCTCAACCATGGGGTGAATGGAATCCTATACATAAATCAGTTAA  
TAAAAGAATAGAAAAAGCTTTT

>trans\_c\_7535 DQ001744|Ocimum basilicum voucher P.M. McNutt 002 (FLDCI) 16S ribosomal RNA  
gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AGCAAATGACCAACTGAGCTCGACGCAAGCTACGTGCAAGTATTGCTGGTTCTGATTATTAGAGAGGCTTTGG  
AAAGACGAGTTTCTCCCTGGGGAAGAGGATCAAGTTGGCCCTTGCGAACAGCTTTCGTACAGCGAGAAAGGA  
CCCCCTTTGGGCGGGGGTATTAA

>trans\_c\_7536 AB081952|Spinacia oleracea Spwrky-1 mRNA for WRKY transcription factor 1,  
complete cds

TGATTTGTTTTTGAAGATGGGATTGATTTTGTCTTCTGATTTTTTTGTATTTTAGACTGGAGCTTTAATGGAGGA  
GTTGAAGAGGGTTAGTGAGAGAACAAGAAATTAAGTAAATGTTGACTGTTGTTTGCGAAAATTACAACACT  
TTGACAGGACGCCCATACCA

>trans\_c\_7537 NM\_130329|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7A (RPL7aA) (AT2G47610)  
mRNA, complete cds

AACAGTAAAGAACGAAGATAAGTTGGAGTTCAGCAGGATCCTAGAAGCTATTAAGGCAAACCTTCAATGACAA  
GTACGAGGAGTACAGGAAGAAATGGGGTGGCGGAATCATGGGTCCAAGTCACAAGCCAAAATAAGCAA  
AGCTCTCTAGGACCATTTTCCTCTA

>trans\_c\_7538 EU379346|Solanum lycopersicum thiamine biosynthesis protein ThiC (thiC) gene,  
complete cds, alternatively spliced

TCAGGGAAACACTGATTGAACAAGCTGAGCAGGGTGTAGATTATTTTACCATTTCATGCTGGGGTCTTACTTCG  
ATACATCCCTCTAACAGCACCCCTCCGTCACCTCCGGTGCGACATGTTCTTCGAGCGGACGTACCCTGTTGTGG  
GTTAGACGACTAAGTCCCCC

>trans\_c\_7539 XM\_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

TGGACTCTCATCAGAGCAGCAACAGGAATGTGCAGTTGCATTGCTTTGTCTTTTATCGAACGAAAATGATGAG  
AGTAAATGGGCTATAACGGCTGCTGGTGGCATACTCCACTAGTTCAAATTCTAGAGACTGGTTCTGCAAAGG  
CAAAAGAAGATTCTGCAACAAT

>trans\_c\_7540 AF008957|Luffa quinquefida 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

CGCGGTCCGCCTATGGTGAGCACCGGTCGGCTCGTCCCTTCTGCCGGCGATGCGCTCCTGGCCTTAAGTGGCC  
GCCTCACCTCCCCCGCAGGCCTAGGCACCTCTCGGGTTACTGTAATCTTGAAATACTACTACACAATGAATGAA  
TATAGGCAGTAGCCGGGTAA

>trans\_c\_7541 NM\_001055557|Oryza sativa Japonica Group Os03g0158500 (Os03g0158500)  
mRNA, complete cds

CAATCTGCTAATCAGTATGGGTCCATTGATTCTGGGAATGCTGCTATTAGTCAAATTCCAAATGAACGGTCTGT  
GACTCCATTTTACAGGAATTCATGGATCCAAGCATGTGCTATCTTCTAATGGATATCCGTCTTATTACTATGG  
AGGGTTTGATGGGACTGCA

>trans\_c\_7542 XM\_002298396|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

AATGGCCCATTCTTGTTGAATCTTGACTGTGATCACTACATAAACAACAGCAAGGCATTGAGGGAAGCAATGT  
GTTTTATGATGGATCCAAACCTTGGCAAATATGTCTGTTATGTTTCAGTTTCTCAAAGATTTGACGGTATTGAT  
AAGAATAGCTAGCGATAGGGC

>trans\_c\_7543 AP010820|Keteleeria davidiana chloroplast DNA, complete sequence

AAAAGCCCTAAAGTTAGGGATTTATCAATCGGTAATGTTGCTCCAATACCCAACCAAAGAGCTACTGCGGTAC  
CAATCAAAAAGACGGTTGTCGCTACTGGACAGTGCTTTACCCCTAGATGTCCAGTCAACTGCTGCGCCTCAAC  
GCATTTGCGGGGAGAACCAGCTA

>trans\_c\_7544 Novel Gene

CCTTCCATTCCGCCCCTTCTACCGCAACCGAAGAGGGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGCTCCTTTACTTTCA  
AGAACTCGTATACACTAAGACAGAAGGACTCCTAGCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTAGA  
GGGAAGTTGTGAGCATTACGT

>trans\_c\_7545 GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal  
RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

CTTTATCACTGAGCGGTCATTTAGGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTCCCTCTCGACGATGAAGCTTAA  
GGAAAATCGTCTCACGTGCCGACCTTGACCCCTGTTATTTTGAGATCATATCTAGTATTCAGAGTTTGCCTCGA  
TTTGGTACCGCTCTCGCGGC

>trans\_c\_7546 AF105221|Glycine max glutamyl-tRNA reductase precursor (gtr1) gene, complete  
cds

ACATCACAACCACCATCTTCCTACATCCTTTTGCAACCAAGTGTTTGATCACAAGTTTCCCCATTTTCCAGCACC  
AACTACCATCACTTTTGCAGTAGCATACGAAGATTCTGGAAGCTTCTTCTGTGCAAGCTCTACAGCAGCTGAAC  
TAACAGAAACCGATCCCG

>trans\_c\_7547 AF479226|Hedyosmum arborescens 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AAGGCCATTACTCACATCGGGACTCAGAATATGGGTGGTGATATATCAGGATGGTCGTC AAGGCCATTT CACA  
CACGGTCACGTAGTAGGTAGAGTTCTCGCTCTACACCTCTCAAGTCATTT CACAAAGTCGGACTAGAGTCAAGCT  
CAACAGGGTCTTCTTTCCCGC

>trans\_c\_7548 NM\_111903|Arabidopsis thaliana ATNAP7; ATPase, coupled to transmembrane  
movement of substances / protein binding / transporter (ATNAP7) mRNA, complete cds

GAAGTGCATCAACATCCAATCCAGAATCTATTTCTCTAATATAGCCATCTCTGCACCCAAAACACCAAGTTGT  
AAGATCTCATTACGCTTTCTTTCTCCACCACTAAACCCTTCATTGACATTTGATTGAGGAAATCCGTCTTCATGT  
TCACAAGATCAAGTTTG

>trans\_c\_7549 NM\_119873|Arabidopsis thaliana catalytic/ pyridoxal phosphate binding  
(AT4G37100) mRNA, complete cds

AAGGAACGGGGCGGGGAAGATGGCGTTGGCTTCTCCCTCTTTGTTCTTTAACCAATAACGAGGAAATGAAA  
GTTCTTGAGCATATGTGCCTCACTCCTGAGGCGATGCCAGCGAGCAAGGTCCTGGTGATGACTAGGAGTCTAG  
AGGGAAGTTGTGAGCATTACGT

>trans\_c\_7550 NM\_001188998|Oryza sativa Japonica Group Os09g0501100 (Os09g0501100)  
mRNA, complete cds

AAGAGGGTTAAGCAGTTCAAGAGACCCAGAGCGACCGCAAGATCTCTGTCAAACAACTGGCGTAGACCA  
AAGGGTATTGATTCTCGTGTTTCAAGGAAGTTCAAAGGATGCACTTTGATGCCAAACATTGGTTATGGTACCG  
ACAAGAAAACCCGTCATCT

>trans\_c\_7551 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GAGTGCAGATGATGTATGCAGCTGAGGCATCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAAGTTTTTGACCCATTTA  
AGTTTGATCTGTTTTACCGAGAAGGTCTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCAATAAAACCGGCATGTCGTC  
GGAGAAATGTGTCTGTTACTC

>trans\_c\_7552 XM\_002885168|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cbl-interacting protein kinase 1  
(CIPK1), mRNA

AGGAGTAATGATTAACAGGGACACAAGCAATGACGAACTGGCCATAGTTATTGTCGTTGGTTTGAACGTGTG  
GTCGTCCGATTAATAAGACGAGACTGAAAGGCTCTGAGGAAGCAAGCAATGACGAAAGTTAACGCTGGCG  
ACAGCAACCAAACCTTGACACCA

>trans\_c\_7553 HM057432|Cionosicyos guabubu 5.8S ribosomal RNA gene, partial sequence;  
internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAGACAACCTTTGATTCCAACAGCACGAGACAGTGTAAATTATCAACCCAACTGACAAGAAAACCATCAAAGACT  
TTGGCTCCCCTGACGACGCTCTCGACGCGACCCAGGTCAGGCGGGACTACCCGCTGAGTTTAAGCATATCAT  
ATTCGCGAGGAAAAGAACTT

>trans\_c\_7554 EF392855|Arachis diogeni S-adenosyl methionine synthase mRNA, partial cds

TAAGAGCATTGTCGCCAGTGGGCTTGACGTAGGTGCATTGTCCAAGTCTCTTACGCCATCGGTGTGCCAGAG  
CCACTATCCGTTTTCTGTCGATACATAAAAACCGGGAAGATCCCCGACAAGGAAATCCTGCAAATCGTGGGGT  
GTCAAGTGGAAGTGGTGTGTA

>trans\_c\_7555 HQ448770|Voyria caerulea voucher Maas et al. 9636 (U) 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATAAGGCTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCGGGGGTTCTGTGACGCA  
TTACAGGAAGCGACCGGTGTCCCTACAGTTGTTTCGTCTTTCATAAATCCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAA  
TACGAATGCCCCCGACTGTCC

>trans\_c\_7556 EU078903|Medicago truncatula beta-glucosidase G3 mRNA, complete cds

TGAGCTCATATCAAAAAGGCATCAAACCATATGTGACACTTTTCCACTGGGATGTTCTCAGGCTTTAGAATATA  
CATATCAAGGCTTCTTGGGTCAACAAATTATAGATGATTTTCGAGATTTTGCTGAACTTTGCTTCAAAGACCCC  
AAGAGCCTCTGTCCCAATT

>trans\_c\_7557 NM\_001049079|Oryza sativa Japonica Group Os01g0239200 (Os01g0239200)  
mRNA, complete cds

AATATTTCTTTACCTACAGAAGCATTTATTCAAAGAAAGCCATGACTGACATGGACAGCACGAACGTCTATGC  
CTATATTTCCATTATTGCTCTCTTTTCTGCATTCCACCTGCTGTGATCGTGGAAGGACCTCAACTGCTAACTGG  
GTTGGGACCGTCGTAACG

>trans\_c\_7558 X04977|Spinach chloroplast 4.5S rRNA gene and 23S rRNA gene 3'end

TCCATGAGTAGTCCGAATACGCGATGAAATATAGCTCTTGTTGTAGACGTTCTATAGTAAAAAATTGCTATTT  
CTCTTTCTCCACAGAGAAACGAAAGAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCCT  
GTTCTGTACACATACATAC

>trans\_c\_7559 XM\_001692452|Chlamydomonas reinhardtii chaperonin 60B2 (CPN60B2) mRNA,  
complete cds

ACAGAGTTCTCCAAACGAGATCTGGAGATTCGGGAACTCAAACACTCCTGTTATTCGAGATTTCTGAAAATTAT  
AGAGAACAAGGCCGACCTCGTCCAGAACGCAGCCTGCGATCCCAAAAGTAGCTTTGTCTATTACTTGGAAGA  
GCACCTGCAGAGATCAAGTCT

>trans\_c\_7560 AY093427|Pisum sativum phototropin 1 (PK4) gene, complete cds

GCGACGTGTCGGAAGAAGGGGCAAGAGAAAGGGGGATTCCGAGAGTTTCTGAAGACTTAAAGACGCTTTG  
TCGACATTTCAACAAACATTTGTGGTTTCTGATGCTACTAAACCTGATTATCCTATTATGTATGCTAGTGCTGGA  
TTTTTCAAGATGAGACCGATA

>trans\_c\_7561 Z00028|Zea mays chloroplast rRNA-operon

AAGGTAGGGGAAAAAAAGGATCAAGTTGGCCCTTGCGAACAGCTTGATGCACTATCTCCCTTCAACCCTTTGA  
GCGAAATGCGGCAAAAGGAAGGAAAACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGAT  
ACACATCCCCTCCAGGACGCCT

>trans\_c\_7562 HM640761|Bulbine semibarbata voucher K Dixon, s.n. (KPBG) 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

GGACCATTGGTTACCAGACAACCCCAAACTCGCTCTGACGGCCACTATTCGGCCTCCTTCCACTCCATGACGT  
CAAGTCATCATGCCCCCTTATGCCCTGGGCTCCTTCTGCCGGCGATGCGCTCCTGGCCTTAAGTGGCCGGGTCGT  
GCCTCCGGCGCTACATGGG

>trans\_c\_7563 Novel Gene

AAAGAAACGACTTCTTACCCTTTTTCAAAGGTCACCGATCTATGATGTCGTAGGAACTTACTTACCTTTATGACT  
AAAGGAGGGGTTCTATTTCTGTAGAACAATCAAGAAAGGAACTCTTACTTTTTATATCATTTACATATACGC  
GCTTCGAAAGATATTGAT

>trans\_c\_7564 DQ148271|Beta procumbens nematode resistance protein (Hs1pro-1) mRNA, partial  
cds

ATTGTTCCGGTGTGTACGGACATCTCCTCATCTCACATTCAACGGAGTATTGAATCAACTGCGCAATGTCTTCAG  
AGCTCTGCCATGACGCAAGTCGAGGAAGAAGACTCGATTCACTCGTTCTGTTACAACAGTGGCTTCTCCATG  
AACCTTCCAAACCTCCGCGG

>trans\_c\_7565 AL161497|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 9

AGATTCAAGTCAAGGGAATTTCAATTTGATGCCTCCGTCTATTAATGCTTCGCTCCTCTCCTATATTTCAAATA  
CGAGTACCTTCGCACCCTATTGTTTTGAGTCGAGATATTTCAACCTTCGGACGGACCCTTAATTGAAAATAG  
AGATTCCATTTAACCCGG

>trans\_c\_7566 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

GGAGCCGCTTCTCTGTTTCTTCTCAAGTCAATAACTAGAATGAAAAAACGGGAATACCAACGCATCCGGGAA  
TAAACGATTGATCTCGATTAATACTGCGTCAGCAGTTACTGCGGGCGCCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTGCA  
AAGGATTCTACCAATCGCTC

>trans\_c\_7567 GQ998349|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 ribosomal protein S15  
(rps15) gene, complete cds; chloroplast

TGTTTTGTAGTATTTTATGGTAAAAAATTCATTCAGCTCAGTTATTTGCAAGAAGAAAAAAGAAAATGGAG  
GATCTGTTGAATTTCAAGTAGTCAGTTTCACCAATAAGATACGAAGACTTACTTCACATTTGGAATTGCACACC  
CCCAGTCGTTTATGAGTGT

>trans\_c\_7568 AY220483|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 276 (ACRE276)  
mRNA, complete cds

TGGATAAGTTGAAGATTTGGAATGCGAAGAGTTGTAGAGCTGAAATTGAGTTCTTGGAGGAGCAGATTGTCA  
ATCATGAAGGCGATATTGAGCCACAGTGCGGTGTTAAACGGTTTTGTTGCCTTTACTAGATATAGTAGGTT  
TTTCTCTTTGAGCCCTCTTCC

>trans\_c\_7569 AP009376|Nasturtium officinale chloroplast DNA, complete sequence

GGGGAAAAATGCCAAGCCTCTGTTGGCGTTTGCGTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCGCTTCGTCCACAAA  
GTGCAGCGCAGTCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCACAGCTTCGGCA  
GATCGCTTAGCCCCGTTC

>trans\_c\_7570 Novel Gene

TAAAATCAATAAAAAGTTTTATCCTAAAAAAGAACGGGGCGGGGAACCTATTCATATCATGCTTCAAACGTTA  
AATAAAAAATGGGGTTTGCTAATTCTTTTCGAAATCCGAAGATAAAAAGTTCCCATGGAACCGAACTCCTGGAT  
CATCTGTCAACACGAGTTAG

>trans\_c\_7571 AJ538781|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT1-M22-007

TGGGTTTTAGTCCTGAAAGGAAAGTCTAAAGTATGTAGGTTTCTGCTTTTATAGCCACGCGGGGGGGTAGTTC  
GATCGTGGAATTTATTTTTTCTGTATTTCCGGAATATGAGTAAAGTGTATGATTGGTTCGAAGAACGTCTTGA  
AATTCAGGCGATTGCAGAT

>trans\_c\_7572 EU526576|Coffea canephora microsatellite CaM30 sequence

ACAGTCGTCTCTTCTCCATTTGATTTGCACACAGCGCAATTTAAACCGGTGATTCGTAACCGATTACAGATCTC  
TCTCTGCCAGCAGTTCCGGCAGCTTCCTGACGGCGACGTCCACACTCGCATATCGTTGATTCTATACTTATTTT  
CCTTAGAATCTCCGCC

>trans\_c\_7573 AF479230|Oxalis dillenii 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GCACAACTAGTTATATAGGAACTAAAGATATATCTAATCCGCCCTACTACTGTGAATTTATATAGCGCTTACAA  
TAAAAGTCCTTCTGGTGAAATACCACTACTTTTAACGTTATTTTACTTATTCCGTGAAACGGAATATTTATGTCTG  
CCCCGAGGGGGTTCACG

>trans\_c\_7574 AJ236706|Humulus lupulus H17SL-1 gene for signal recognition particle

TGGTAGGGTCTCCCGAAAGGAGCCTGTGATTTATTTGACTCAAGTAGGAAGTTGGGCCATTGGCTTTGGGC  
GAAGGCCGAGAGTCAGTTGCCCTTAGGACAAAGGAAACCGCGTGAGGCTGGTTTCACAGAGCAGCGTGTG  
GACCCGCAGAACAGCCACCTTCC

>trans\_c\_7575 XM\_003082221|Ostreococcus tauri polyubiquitin (ISS) (Ot12g01240) mRNA,  
complete cds

CTTGGAGGTTGAGTCTTCTGACACAATTGACAACGTGAAGGCTAAGATTCAGGACAAGGAAGGCATTCCCC  
AGACCAGCAGAGGTTAATCTTCGCCGAAAGCAGCTGGAGGATGGAAGGACTCTTGCTGACTACAACATTCA  
AAAGGAGGTCTTTGGGGGGCCC

>trans\_c\_7576 AF283507|Catharanthus roseus MYC2 (myc2) mRNA, complete cds

TTACGCCGGCGGAAGAGGGTAAGATCACGCCGGAGGTGAAAGAGAGGATCCCTTCGTCGTTGCTACTTCGAG  
AAGCAGGGGATCTCTTTTCTCGTTCTGTTGTTACGTACTGTGAATGGCCGGAGAAGAGGCTTCCGTTT  
CCAAAATTCAGCATCCCGCC

>trans\_c\_7577 NM\_001057775|Oryza sativa Japonica Group Os03g0744800 (Os03g0744800)  
mRNA, complete cds

TACTAGATGGACACACTTGTCCGCGGAAGTGCAGCAAAGGTGGTTGGGGAGGGGACCCAAAAGGTCCACC  
TCCTAAAGAGGGGTGTTACCACCGTTGACCACTGTTGGAGCTGTACCATGGCACTACACTGTAGTCATTGGTG  
TTGTTCTGAGATACAGGACGT

>trans\_c\_7578 AB078603|Pisum sativum SN4TDR mRNA for 110 kDa 4Snc-Tudor domain protein,  
complete cds

GGGTGTGAGATGTCCTGGCCGCGATGAGCCATATTCAGATGAAGCAATTGCCCTAATGCGTCGAAAGATAAT  
GCAGAGAGATGTGGAGATTGAAGTGGAAACTGTTGATAGAACGGGAACCTCTCCAAAGCTTTCGCAAAGGAT  
GGAAGTTGGTGCAATGACAACC

>trans\_c\_7579 NM\_001189015 | *Oryza sativa* Japonica Group Os09g0520400 (Os09g0520400)  
mRNA, partial cds

TTAGTAGTGCATTAGTTCCGAAAAGTCTGAGGCGCAAACAACAGCGCGCTGAAGCAACTACTGGAATTGCCCT  
GTGTGTAAGTGTACGACGAACGAGACCTTTAGATACAATCGTCACCGTCCCCTGACTCTCACACCTTCCGTCAA  
TTCCTTTAAGTTTCAGCCT

>trans\_c\_7580 FN995638 | *Chlamydomonas reinhardtii* mRNA for mTERF1 protein

GAGGCTGAAGCCTGTTGGTTCCAGCTTCCAGAACCATTCTTACTAGCATTTTCAATTCCTCGAGGTGGAATGTT  
GCTACGTTCCATCATGGATTGGTGAAGTACGAACTGGAGAGCGATCACGTGCTGGTGCAGACCTGTCGGG  
GCTCCAGCCTGGAGGACTGT

>trans\_c\_7581 NM\_001124071 | *Arabidopsis thaliana* peptidase M1 family protein (AT1G63770)  
mRNA, complete cds

ACGATCTACCACAACTGAACAAATCAGCTTCCTACTAGCTTGTTTAGCACCAAACGGCAAATGATATGGAAACC  
GATAATTCAGTCCAGATTTACCTGCGAAGTGAATAAGGGCCTCTGTCTAGTGCTACGTTTGACTGAAATTCCA  
AATGAATTAACACGCTGA

>trans\_c\_7582 GQ998510 | *Liquidambar styraciflua* voucher FLAS:M.J. Moore 307 photosystem I  
assembly protein ycf4 (ycf4) gene, complete cds; chloroplast

CAAAAACTTCAATTGGTACACGCAAGAAATAGGCCAATTCGGCAGCCTTTTGCTCAATTTCTCGTGGGGTCA  
GATTCTGATCGGTACGCGTCAAGGGAATGGCCCCTTGGCCTCTTATTTCCATATAAAGGACACGACGTGCATA  
AATACCCTCTTTAACTTCTA

>trans\_c\_7583 AJ271079 | *Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

AAGAGGCTGCTGATACCCGTTTTCAAGACCGGAGCTATCAACCACTCGGCCATCTCTCCGAAAGATAATTTCT  
ATTTTATTTATATTCCATCCCATCGAATAGAAGATTGACATATAAGTTGCTACCATATGACAGATATGATATCTG  
TAAGCGCCTTATGTGGC

>trans\_c\_7584 AY850394 | *Lycopersicon esculentum* cultivar Heinz1706 chromosome 12  
centromeric region

TATGAGCTGAATTTTTACGGTGCTTCTATGGTTTGTTCTTTTCATCATCTATATATGGTTTGACTTTTCGTCCTG  
GAGTGGTTTCTGTTTGTTTGCGGTGTTGATTGTTATTCTGGAGATATGATGAGCAACATTGGTCCGTGTTTCTG  
AATTAACCGTGACTGA

>trans\_c\_7585 FJ669695 | *Moultonianthus leembruggianus* 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence



ACAAGACTAAGTGCTAACTAGCTATGCGGAGGTACCCCTCCGCGGCCAGCTTCTTAGAGGGACTATGGCCGA  
GCTAGCCAAGGAAGTTTGAGGCAATAACAGGTCTGTGATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGCACGCGCGCGAC  
ACTGATGTATTCAACGAGTCTA

>trans\_c\_7586 XM\_001702919|Chlamydomonas reinhardtii enolase (PGH1) mRNA, complete cds

CACTAGCGCCCTGGATCAATTCGCTTCTTCAAGAATAGAGTCACTAACTGAACACGGACGTGATCATAAACCT  
CCACTGCAAACACGTAAACCCTGAAGAAAGTGTAACACCTAGAGCGAAAATGTTCTTCACCGCTCAGCTGGA  
CTCAATAGCAACACTTTTCG

>trans\_c\_7587 AB295118|Glycine max GmPDIM mRNA for protein disulfide isomerase family,  
complete cds

CCATCTAGCTATAGCGAACCTGAGCGACAGCCAGCCTGTTATCCTTCCACTGCACGGAGCGGGAAGTTGTCGC  
TGCTCTGTTAAGCCAGCCTCACGCAATGCCCTCCACTCTAAGAACCAAATAGCCCAAGCCTACGCCCAAGCTAC  
ATGACCCAACTCTCTGCTT

>trans\_c\_7588 FJ054606|Pinus taeda isolate 4900 anonymous locus 0\_14381\_01 genomic  
sequence

GTTGCCAAGTATATAGGCTTTGGAGTGAATAAGTTCTTGTTTGATAAGATGGGTTTGAGTGTATCGACGTTCT  
AAATTTGTTGTTGCATTAAATTATTGATGTATGGGATGAGTTCTGTAAGTATGATGAAAGGTTGAATGAAATG  
TTTGAGATTCCTTGCACTAA

>trans\_c\_7589 NM\_179028|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT4G11570) mRNA, complete cds

GAAAGATCGGAATTGATGGTGATTTCAATGTGATTATAGCCGCGGAGGATGTTTCATAGGGGAAAGCCCGATC  
CAGAAATGTTTGTTTATGCAGCACAGCTTTTGAAGTTTCTTCTGAAAGGTGCATTGTGGGGTTTCCGGGTTTG  
GTTTGTGTTGGTTAGTGGCA

>trans\_c\_7590 NM\_001062472|Oryza sativa Japonica Group Os05g0496200 (Os05g0496200)  
mRNA, complete cds

TACTACCATGGCTCTCCTGGGCTTGACACGGCCCCACAAGATAGTCGAGTTCCTTCTGCAAGAGGAAACCAG  
CTACGGATGGCTTCAAAAAGTTGGTGACTCCCTCGGTTGAAGCGTGAGCTCTATGTGCAGTCCCAAATGCATC  
ATTCACAAAAAGATCAGCTA

>trans\_c\_7591 FJ424433|Peperomia trifolia 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal  
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete  
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCTTGCAGTTGTTAGAAGTCTGTCTTAATCGACCAACACCCTTTGTGGGATCTAGGTTAGCGCGTAGTTAGGCA  
CCGTAAAAATTTTTCCGGTTTATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGCCCCACTTGAGCTCTCGATT  
CCGTGGTGTGGCTCAAC

>trans\_c\_7592 XM\_002888942|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata IQ-domain 31 (IQD31), mRNA

ACCTCTTGCCAAAAGGTCACGGCTCAGACCATTAGAAGCCTTCTCCAACTTTCCTTAGGCTTCTCAACATCAA  
ATTCTGTTTGAGCAGGATTCTCAGCGACAGGGTTATGGACCTTCTCAGACTACGCTTGACCTTTTCGAGCTCC  
ATCTGGGGATTCTCCTGA

>trans\_c\_7593 NM\_126229|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G01680) mRNA,  
complete cds

AATTCTTGTTGCAACTCTTGCAAGCATGTGCTACTTGGTTTTTCGACAACATTTTGGTATCTTTAGCAGTGACTC  
TCAAAGACGAATCAGACGAGCAAGTGGAAGCAAGTCTTCTCATGGCCTCACTCGGTAAACATATCTGATGAT  
GATGATTACAACTCCGAC

>trans\_c\_7594 NM\_001125678|Arabidopsis thaliana CPuORF48 (Conserved peptide upstream open  
reading frame 48) (CPuORF48) mRNA, complete cds

CGTAACCGAGAAGGATTTTGTAGTGATGAAGATGGACGTGGAAGGAACTGAATTGATTTGATTCCGAGATT  
GTTCAAGACTGGTGCTATTTGCTTGATAGATGAGATATTTCTCGAGTGTATTACAATCGCTGGCAGAGATGTT  
GCCCAGGCGAGAGAAGTGCA

>trans\_c\_7595 EF207454|Pterostemon rotundifolius inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

TGTGGCCTAGGGTATGAGAACTCCGCAGTTAAGCGTGCTTGGGCGAGAGTAGATGATCTGGTTTGTCAACAG  
GTTTCCTGAAGACACAACGTGGGGATCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATG  
CTTAACACATGCAAGTCGGACG

>trans\_c\_7596 NR\_022053|Arabidopsis thaliana (AT1G07728) otherRNA

CATCACTGCCGTATGGCGAGGCTAGCACTCATCTCCAAGAACGAATCGGAGATTTGAGGTTTCGTACTTTCACG  
ACGATGTACTCGAGATTGTTAGCGAGGAAGATGTACGATAGAGGCGCGTCGTGGTAGAGCTCTGCTTTGCTA  
TCGAGCTTTGAGAGAAGGACT

>trans\_c\_7597 GU345781|Cucumis sativus nitrate reductase mRNA, complete cds

TGGTCCGTCTCACAGGGAAGCACCCCTTCAACTCGGAGCCACCCCTCAATCGTCTGATGCACCATGGGTTCATA  
ACCCCGGTCCCACTACACTACGTGCGTAACCATGGAGCTGTCCCTAAGGCCAACTGGAGCGACTGGACCATCG  
AGTGAGTGTTGAACCACT

>trans\_c\_7598 NM\_001065611|Oryza sativa Japonica Group Os07g0187400 (Os07g0187400)  
mRNA, partial cds

ATCGTAGGTTTATTAATGAGTGCCCTTTCAGTGGAATGCCTTGGGCTCCTCAACCATATTCGAGAACTGTAGAT  
CCTGTAAGTAGCAGCAGTGGTAACGTTGAATCTGCAGGAAGTGAGTCCCACTTTCACTTGTATCACGGTGTAC  
TGTCAGCACGGTGATCTG

>trans\_c\_7599 GQ998705|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 RNA polymerase beta'  
subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

GAGTCTATCCATCGCATATAGGCTTTAAGGACATCGTGGCATAACCGTCGAGGTAAAGTAGGGACCTAAAAG  
ATCGAATGGAACGATACAAAGACAAACAAGTAAATCCCTTATGAATTCCAAGATACACTCCTTATTAATTTTCA  
CCGGAAGCCTGCGTAAG

>trans\_c\_7600 X54694|Beta vulgaris subsp. vulgaris mitochondrion DNA for repeat II (partial)

TGTAACAAGTACTAGCAATGACTTCCTCTTTTATTACTTTTATTCTTTTATATCCTTCTCCCTGTTCTCAGTTACTCAT  
CAAATGGCACTCAGTTTATATCTTTAAGTTCGATCATTGACAAGGTTCAAAGAAAGGGTGGCGCCTTAAAAAA  
TTGGGTGGGACAAC

>trans\_c\_7601 NM\_001051162|Oryza sativa Japonica Group Os01g0818000 (Os01g0818000)  
mRNA, complete cds

TACACGATGAAGTGAGCATCTGTTGCTGTGAATCTGGCGAAATGGATCTGTAGGTGTAGTTTTCGGCTGTATC  
CTTTGTCTGTGGTTCGGTTCCGTTTCGGTCACGGGGCTTTGTTCTTTGAGAACGATGTCTAGTCGGTCTTAGGAGGA  
GCGAGCGGTCGTCGGCGG

>trans\_c\_7602 XM\_001690416|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGAAAGCTTTGTTATCGTGTGGGTCTCAACCCTGGCGGCTCGGTTGATTGGCACTCCTGTAGGCTCATCTTGCA  
TACAAATGATGGGGGTCCCACCAGGTCCTGCATCCACCAAGAACATTTCTCCCTGAAGCGTAAACTGAAGA  
TTGTAAGGCGTTTACACT

>trans\_c\_7603 AB198716|Solanum tuberosum StrbohC mRNA for NADPH oxidase, complete cds

TATGCTTTCTTTGTTTCGGAATCCTTTCCATGCTTGCTACCTCCTCGACTGCTATGCCCTTGCCATTTTCTACTG  
CATTTGCTTCTGATTCTTTCTCTCTATGTTGTCGATTATGTCTTTTACTATACTCACCATCGGTGTTGCCCAATT  
CCCAACCCCACT

>trans\_c\_7604 NM\_102494|Arabidopsis thaliana AHK3 (ARABIDOPSIS HISTIDINE KINASE 3);  
cytokinin receptor/ osmosensor/ protein histidine kinase (AHK3) mRNA, complete cds

AGAAGATCTGGAGCCATCACCCACCCAAGACGAATATGCTCCTGTAATCTTGCACAGGATACAATTTCTCATG  
TCGTTTCTCTTGATATGCTGTCTGGAGTGGAAGACCGTAAGAATGTATTACGTGCTAGAGCATCGGGAAAGGG  
AGTCTTAACTGCTCCATT

>trans\_c\_7605 AJ312093|Lycopersicon esculentum spy gene (SPINDLY-related gene), exons 1-18

CCTTTTCTTTTCTCTCCTTTGGTGTGTTGGTGGGAAGATGATGAGAGAAAAGTTCTAGTTGTAATGCCTTTGCTTTC  
TACTTCCATATCAAAAACCAATTTCAATGTATTATATTCTCCTTTGAGTTATTGTAATAAATCACATTTTAAGATT  
CTTGAGGGTCTTT

>trans\_c\_7606 BT008712|Arabidopsis thaliana At4g24570 gene, complete cds

CGGTGTCTCTGCAACTGTTCTCCGGCAAACCTTTACTCCACCACTCGAATGGGTCTTTACGACATCCTCAAGAC  
TAAATGGTCCGATCCAGATTCCGGAAGTATGCCTCTAACCCGGAAATCACTGCGGGGTTAATAGCTGGCGG  
GATACAGCGTTTATTCA

>trans\_c\_7607 GQ998240|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 cytochrome b6  
protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

AGCATTGAATAAGTGATAATCCAAGGGTCTTACTCAGGGAATTTTTGAACTTTTTTTGGAAGGGGGGGGCGG  
TCCGACGATGTTGGAGCTGAGTCCGAGCCTTGGGGCCGGTCGGACGCTTTGAGGCCACCTCGCCGGAAGCGA  
CCGCTAAAAGAAAAACCGAG

>trans\_c\_7608 EU123520|Nicotiana tabacum ABA2 mRNA, partial cds

AAAAGAGATCAGAGAGAGAAATATTAATATGGATAAAGCTATGAAAGTTGTGGTTTTAGCATTGGTGTTGAT  
GGTTGTTAATAATATCGGTTTTGGTGAAGCTCAATCCATTGCAACATGCCAATTGCAGGTTTGTATGCGTGTC  
GACATATACAATGCGGAGG

>trans\_c\_7609 XM\_002863177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytochrome c biogenesis protein,  
mRNA

CAACAAGTACCGCGAGGGAAAGATGAAAAGGACTTTTCCCCCTCTCTGACCCGCTGTAGGTCCCGGGTTATGA  
TATTTTAACTTTTCGAGCATATATTAATCATATATCTTTTCGGTCATTTTCATAACAGTAATGTTAAGTCAATTA  
TTGGAATAATTAGTTA

>trans\_c\_7610 L36159|Medicago sativa unidentified mRNA, complete cds

AAGCGCAATAGCCCAGATCGTCCGAACGATCCCTGGAAAAACCTACATCCTCTCGTTCGTCGTCGGCGATGCG  
AGCAACTCGTGCGAAGGATCTATGGTTGTTGAAGCTTTCGCCGGGAAAAACACACTGAAAGTGCCGTATCAG  
TCGAAAGGAAACGGCAAACC

>trans\_c\_7611 EU836688|Glycine max nematode resistance HS1pro1 protein (HS1pro1) mRNA,  
complete cds

AGAGCGTCGCGAGTAAACATACCGTCTGATGAACTCAGATCAACAATCGGAACTCTACCGCGTGATTCACCGT  
CCTCTTCGTCGTCTTCACAAATCATAGCAATGAGTTGGATCTGCTTTTGTACATACGCTTAAGTCGTCTGCAAAG  
GATTCTACCAATCGCTCG

>trans\_c\_7612 L42849|Pedinomonas minor large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

CCCGTGATCCGGGACGAGGACCATGTCTGGTGGGTAGTTTGACTGGGGCGGTCTCCTCCCAAAGAGTAACGG  
AGGAGCACGAAGGTTAGCTAATCCTGGTCGGACATCAGGAGGTTAGTGCAATGGCATAAGCTAGCTTGATCA  
CGCTACCGACAATGGTTAACA

>trans\_c\_7613 AB331283|Tetrapanax papyriferus chloroplast rpl2, trnH, psbA genes, partial cds  
and complete sequence

GCATGCGCGCGCTATATTATATATATATAGGGTAGGGGGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAGTGGA  
TTGTGAATCCACCATGCGCGGGTTCAATCCCGTCGTTGCCCCAACACGACTCTCGGCAACGGATATCTCGG  
CTCTCGCATCGATGAAGAA

>trans\_c\_7614 AY189087|Micropleura renifolia 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GCGGCTGCAGAGGCCTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTAGGAATTTTAACCCGATTCC  
CTTTCGAAGTTGCATAGACTATGAGCAGAGACGGGTTTCCCCGTCTCTTAGGATCGACTAACCCATGTGCAA  
GTGCCGTTACATGGAACC

>trans\_c\_7615 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

CGTCTGATTAGCTAGTTGGTGAGGCAATAGCTTACACCTTATCGTGCTAGTAGCTAGTGAACCTAACGGGTCTG  
TTGGTTCGTGGGATGGGGTCTTTACGCTCTGCCGCACACTTGAGGGTATCACACTGGCTAGGCGCGCCACCT  
AGGGAGTGGCAGTCCGAAA

>trans\_c\_7616 EU107111|*Taxus wallichiana* var. *chinensis* voucher YX001 18S ribosomal RNA gene,  
partial sequence; chloroplast

ACAATACTGCTGACTGCTAGTTTCAGACTCCGCGTTTGTGTGCGCGGACTTCGTTGATGACCTTAACGGGACA  
CACTAACTGTACGACGAACGAGACCTTTAGATACAATCGTCACCGTCCCCTTTGGACCAGCCCTTCCGTCAATT  
CCTTTAAGTTTCAGCCT

>trans\_c\_7617 AM711640|*Cuscuta reflexa* complete chloroplast genome

GGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTCCCTCTCGACGATGAAGCTTATCCCTACTAAGAATGATCGGACG  
TGGTGTGCGATGTTTGTGCGACACTGTGGCGCAGATTTATCATCGCAACCTTTATCACTGAGCGGTCAATTAGGG  
GCCTTAGCTGGTGATCCG

>trans\_c\_7618 AB331286|*Grevillea robusta* chloroplast rpl2, trnH, psbA genes, partial cds and  
complete sequence

TACGGGCATGCGCGCGCTATATTATATATATATAGGGTAGGGGGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCA  
GTGGATTGTGAATCCACCATGCGCGGGTTCAATTCCCGTCGTTGCCCCACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCT  
TACACAGAGAATGAGGGTG

>trans\_c\_7619 U09988|*Glycine max* Williams 82 mitochondrion NADH dehydrogenase subunit I  
(nad1) gene, exons D and E, partial cds, and maturase-related protein (mat-r) gene, complete cds

CCACCTATAGCAATGTCGACCGTAATGGGACTTGGCTGGAAAGTGTTCTTGCCTCTATCATTAGCTTGGGTAGT  
CTTAGTTTCTGGTCTTTTAGTCACCTTCAATGGCTCCCTTAATTATGTGCGAGGAATTTCCCTCATCGAGCGGC  
AAAGGATTTTATAGTC

>trans\_c\_7620 GQ917184|*Glycine max* cultivar Kefeng No.1 beta-form rubisco activase (RCa $\beta$ )  
mRNA, complete cds

GAGGCAAAGGACAAGGAAAATCCTTCCAATGTGAGCTTGATTTGCCAAGATGGGAATCAACCCAATCATGA  
TGAGTGCCGGAGAATTGGAAAGCGGGAACGCAGGAGAGCCAGCCAAGTTGATCCGACAACGGTACCGTGTC  
CCGTAGGACATGGTTGGGTTC

>trans\_c\_7621 AF479122|*Hypericum perforatum* 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

ACACATGGGTTAGTCTAGCTTCGGAAACGCCCCCTTCGGGCTGTCTGCCGCGCAACAGCGGAACCTTCGAAAG  
GGAATCGGGTTAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCCTAAAATTCTCATGATTAT  
TTTAAGATTTCTCCAAT

>trans\_c\_7622 AF321984|*Lycopersicon esculentum* lethal leaf spot 1-like protein mRNA, complete  
cds

AACATGAAAACATTCTCCTCCGCATAAGCCTGCGTCAGATTAACAACTGAACTGACAATTAACAGCCCAATAT  
CTACAATCAACCAACAAGTCATTATTACCCTCACTGTCAACCCAACACAGGCATGCTCATAAGGAAAGGTTAGT  
TTCAATCCCCCAAGA

>trans\_c\_7623 AJ438590|Mesembryanthemum crystallinum mRNA for vacuolar ATPase subunit B (vha-B gene)

CCACTTTTCTCAGCTGCAGGTCTTCTCACAATGAAATTGCTGCCCAGATATGTCGTCAGCTGGCTTAGTAAA  
ACGGTTGGAGAAATCCAACGATCTTCTTGAGGGTGGTGAAGAGGACAACCTTGCCATTGTTTTTGCTGCTATG  
GGTGTTACACGTTCTCAC

>trans\_c\_7624 AY396215|Acanthosicyos naudinianus Ycf5 (ycf5) gene, partial cds; chloroplast

GGCGTACGGCGCTTTAGCTAGTTCACGAAGAAAAAAGGAAGTGTTTCTTACAAAATAGTTCCTTCGTTGAT  
GTATTGGATCTCATCAAGGAAAATAACGCATTTAATAAATTATTGTTTTTACCAAAAATTCTTATAGCTTTTTG  
AAATGTAATCACTATAA

>trans\_c\_7625 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF, atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

AAGGAACGGGGCGGGGAAGATGGCGTTGGCTTCTCCCTCTTTTGTTCTTTAACCAATAACGAGGAAATGAAA  
GTTCTTGAGCATACACATTCTGTCTTCAGAATAGCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAG  
GGAAGTTGTGAGCATTACGT

>trans\_c\_7626 AL161543|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 43

GGGGTAAAACTTCACCCCCGGGACGGGGCAAGCCCCACCGAAAGTAGGGTGGGATGGCTCGCTCGCGCACA  
TGTACCGTGTGTTTCGTATTGGTAGGTGTCGGCACGACTCGTCGTCTCTATACGATCATGGACAAGTCGCCTTTC  
ACCCCTGACAGGTCGGGT

>trans\_c\_7627 M86906|Pisum sativum chlorophyll a/b-binding protein (Cab9) gene, partial cds

GTTTAGTTTGTGAGTTAACAACAAACCCGAAATATACACCACCATCAATGGTTTAACCAACAAGTTCCTTTCT  
CACTCTCTGAATCCTAAGACTCTCACTTTCAGGAACAAAGTTTGTGGCATATGGCCCAAGCATTGTTGTTGAC  
TGGGTCAGCAAGGTGAG

>trans\_c\_7628 AY832627|Pseudotsuga menziesii var. menziesii haplotype Pm-F3H2\_17 flavanone 3-hydroxylase 2 (F3H2) gene, partial cds

AAAATATTCCCACTTCCTTTATACAACAGAATATACAGAATCTAGGTCTCCGAACTGTCCATCTCAACAACTATT  
CATCCTCATAAACAATGAAATCCTACAAAGTTGTAATCGACACAACATTCACCAAAACAAAGCTCAGGAATCTTC  
CTCAATTCAAAGAACC

>trans\_c\_7629 GQ997284|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 ribosomal protein S19 (rps19) gene, complete cds; chloroplast

TGCGAATGAGACACCGGTATGACCTACCATACGATCCGTTATATAAACAGGCAAATGGTCCTTTCCATTATGA  
ATAGCAATAGTATGCCCAATCATTGTGGGTATAATGGTAGATGCTCGGGACCAAGTTACTATTATTTCTTTTTC  
TCCCTTTGTGTTAAGCGT

>trans\_c\_7630 GU356594|Capsicum annuum alpha-mannosidase mRNA, complete cds

CCGGGAAGCTTAATGTTCACTTGGTCGCGCATACGCATGATGATGTTGGATGGTTGAAGACGGTTGATCAGTA  
TTATGTTGGCTCTAATAACTCTATCCAGGGAGCTTGCCTGCAGAATGTGTTGGATTCAATGGTTTCTGCGTTAC  
TGGCTGACAAGAACGAGG

>trans\_c\_7631 NM\_001067055|Oryza sativa Japonica Group Os07g0658400 (Os07g0658400)  
mRNA, partial cds

TCAGCTACTATAGTAGCAGATACTGCTCAGTGCTTCAGTACTCATCAGTTTGCTTGTTTAATTGGATATGGTGC  
AAGTGCTATTTGCCCATACTTGGCTCTGGAACTTGTCGGCATTGGCGTCTTAGTAACAAGACTGTAACTTGA  
TGAAGAATGGAAAGATG

>trans\_c\_7632 FJ121796|Pinus taeda isolate 6189 anonymous locus CL1089Contig1\_03 genomic  
sequence

GACAGTCCCCTTTTCTCAAATCTTTGAGCCTTCGGACCGCTAGAAAGGAGTCTGAAATCCATATTCACCTGT  
CCTCTCATTGATAAGGACATATTCATATATATTCAACTCCGGACTGGTCAGATTACGCTTTCGCTGCAGAAGTA  
GTAGAAAGTCAAGATC

>trans\_c\_7633 EU491511|Panicum virgatum 4-coumarate coenzyme A ligase 1 (4CL1) mRNA,  
complete cds

ATTGTATGATCTTCCGGCATATCTTCGTCGTTTTCTTGGATCAGTTGGTCTGTCTCCGTGATTAGCCCACGCAGT  
TGATAGAAGGTCCCCCGTCCGCCCTCCCCGCCATGGCTAGACCCCTGTTGTCCCTCCCGATCTTGCTACTCTG  
CAGAGAGTTCGACTT

>trans\_c\_7634 EU402465|Ipomoea batatas flavonoid 3'-hydroxylase mRNA, complete cds

CGATTTTCAGAATATACAATACAGATACAAAAGTTTAAGGAGGAATTAGAAGACAAGATTTCCGGATGTACAGA  
GATTAGTGAAAGAGAAAGAAGATTTAATAGTGCGAATCAAGGATCTTGAATCAGCATTTGACTCCTTATGCAA  
TGAAAAGCACGAACCTTGAG

>trans\_c\_7635 Novel Gene

CCGGCGCTGTTACTTTGTGGATCAGTTTGTACATAGAAGGAATGGTTCATTTGAAATTTTTGTTTGATTATCAA  
AGATACGATACTGAGGAGGAATCCGATTAGATATGTGAAGTGGGTGAAAGTTCAGTTTGATGTTTTACCTATT  
ATGCGGGTGCAACAGGA

>trans\_c\_7636 X87143|Helianthus annuus mRNA for stereo-unselective delta 8-sphingolipid  
desaturase (sld1 gene)

ATGTTACCGATGCATTCATTGCTTATCATCCTGGCACCGCTTGGGCGTATTTGGATCGGTTGTTCACTGGATTTT  
ATCTCAAGGATTTTCAGGTCTCGGAGATTTCTAAGGATTACAGAAAGCTTGCTTCTGAATTTTCCAACAAGGT  
TTGTTTGAGAAGAAG

>trans\_c\_7637 X78548|G.max gene encoding epoxide hydrolase

CCGGGGGGTACCTAAAATCTCTTTTAAATCATATGTAATTCATCTACAAAGATAAGACATTAATGATGAACCAA  
ATCAAGTGGCCAATTACAAACAATACAAACAATAATGAGGAAAGGAAAACGATTCTATTTTTGAGCCTCCGTA  
GAGCGGGGTGGTCAAAC

>trans\_c\_7638 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

CCTGGGCTTGGGATTGAGTGCCCCTATTTGCAGGTCGCCTGTGTCAATGGATTAGTTCGATCTAAAACCTTGAG  
ATAATGGGTGTAATCCGAAAAAGATTCAAATGTGGTTGTTAATGGAGTTGAAGTTACCAAATTCTGAGGAGT  
CGGTATTAATTTATGCCC

>trans\_c\_7639 AM777385|Lolium perenne complete chloroplast genome

CCCGGATCACCAGCTAAGGCCCTAAATGACCGCTCAGTGATAAAGGGCGGATATAGTTTAGTGGTAAAACC  
CTAGCCTTCCAAGCTAACGATGCGGGTTCGATTCCCGCTATCCGCTCCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTT  
ACACAGAGACGTCTTCAG

>trans\_c\_7640 EF392845|Salicornia veneta photosynthetic oxygen-evolving protein 16 kDa subunit  
(psbQ) mRNA, complete cds

AGTGGAAGAAATGGCACAAGCTATGGCATCAATGGCAGGACTCTGTGGTTCCTCTCAGGCTGTATTGGAAGG  
TAGCCTTCAAGCCGACAATCTGGTTTATCCAGACACAATCGATGATGCTGAGTTCCTTACTTTTTTTTCTGGGTT  
GTTGATCAAAGGGGTCC

>trans\_c\_7641 EU002543|Staphylea colchica RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene,  
complete cds; chloroplast

AAGGGGGAAATGAGAGATATTTTGTTCACCACAAAGAATTATTTGATTTTTTCATTTCAACGAATTTACATGA  
TACATCAGAACAAAGCATTCTAGGATTTAATGATTCATAAAAGTGGAGTCATCCTGTAACTAGCCGCGGGCC  
GAACCGGGCGGGATAAT

>trans\_c\_7642 NM\_001059255|Oryza sativa Japonica Group Os04g0408600 (Os04g0408600)  
mRNA, complete cds

ACAGAAGATCCCCCTCCAGACGGACGTTTTGAGCTACCGGGTTGGCTATTTGACTCTTCTCCTTCTTATCTGC  
AGATGGTGAATGATTTATAGAATCAACAGGAAAATCGTGCTCAGGCTTCTCAACAATATCTTCTCCTCCTTA  
TTATCTCTACCTCCC

>trans\_c\_7643 NM\_001060653|Oryza sativa Japonica Group Os04g0656100 (Os04g0656100)  
mRNA, complete cds

GATCAATCTGCCTTGACCGGAGAATCACTTCCCGTGACCAAGAACCCAGGGGATGAAGTTTTCTCTGGCTCCA  
CTTGCAAACAAGGAGAAATCGAGGCTGTTGTTATTGCTACTGGTGTCCACACTTTCTTGTTAAAGCAGCTCAT  
CTTGTTGATAGTACTAA

>trans\_c\_7644 EF207526|Rhodoleia championii RNA polymerase beta' subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

CAGGAAAAGCTCGAACGACCTTCAAAAATAGACCACACCTAAAATCGGGTCAAATTATAATTGTTGAAGTTGA  
TTCTGTAGTAATAAGATCAGCTAAGCCTTATTTGGCCACTTCAGGAGCAACTGTTCATCGCCACCGCGTATCGG  
CATCAATGCAAGGTGGC

>trans\_c\_7645 AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence



CCCACCAATAACAGTTGAAGGGAATTCTTCGAAGAGAAAATGGATTATGGGAGTAACAAAAAACCAGATTT  
GAATGATCCTGTAAATTCTCGATTCCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACAC  
ATCCCCTCCAGGACGCCT

>trans\_c\_7646 NM\_001111475|Zea mays photosystem I subunit d1 (psad1),  
mRNA gb|AF147726.1|AF147726 Zea mays ferredoxin-binding subunit (psi-d1) mRNA, complete cds

AAAGTTCAGTATTTGCATCCTAAAGATGGGGTTTATCCAGAGAAGGTGAATCCAGGAAGGGAAGGAGTTGGT  
CAGAACTTCAGGTCTATTGGAAAGAATGTTAGCCCTATTGAGGTAAAGTTCAGTGGAAACACCTGTGCGTCGG  
GTGCCTGGGCCCCGGCTCTC

>trans\_c\_7647 GQ998656|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 ATP synthase CF0 subunit I  
protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

ATTCGGGTCTTGGATTAATGATCCATATTTTTTTCTTTTTCTTTGTGGAATATGAATAGAGAAAAGAGGATAG  
GCTCATTACATTCAAAAAGATATATGGGAATTTCTCAGAAATAATTGCAATGATTGAGCGTGAGAGCTTTTGTG  
CCAGGGGTGGGGTACT

>trans\_c\_7648 NM\_127453|Arabidopsis thaliana AHA1 (ARABIDOPSIS H+ ATPASE 1); ATPase/  
hydrogen-exporting ATPase, phosphorylative mechanism / protein binding (AHA1) mRNA, complete  
cds

AAAGGTTCTCACTGCCATTGGAACTTTTGTATTTGCTCCATTGCCATTGGTATGTTGATTGAGATCCTCGTTAT  
GTACCCGATCCAACACCGTGAATATAGAGATGGTATCGACAACCTTTTGTTCTCTTGATTGGAGGCATCTTGT  
AACAGCGTAAGCAGT

>trans\_c\_7649 GQ998846|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C ribosomal protein L23 (rpl23) gene, complete cds; chloroplast

GGGAAAAATCAATATACTTTTAATGTCTGAATCAGGATCAACTAGGACAGAAATAAAGCATTGGGTCTGAACTCT  
TCTTTGGTGTCAAGGTAATAGCTATGAATAGTCATCGACTCCCGGGAAAGGGTAGAAGAATGGGACCTAGGC  
GTTTCACGCACCGTACGGC

>trans\_c\_7650 NM\_119572|Arabidopsis thaliana PAB2 (POLY(A) BINDING 2); RNA binding /  
translation initiation factor (PAB2) mRNA, complete cds

TGTGACCACTTTGGTCCGAACTCCCCAAACATATTTTTCAAATCTTCTTCAGAGGTAGTTTCTGCTAGATTCTTG  
ACAAAAACGTTATTGAATTTTGTCTCGCTGACACTTTCTCCCTCTGCTTGCAGGAAAGGTCCCACAAAC  
ACCTGCTTGTCATT

>trans\_c\_7651 AP010820|Keteleeria davidiana chloroplast DNA, complete sequence

AAAAGCCCTAAAGTTAGGGATTTATCAATCGGTAATGTTGCTCCAATACCCAACCAAAGAGCTACTGCGGTAC  
CAATCAAAAAGACGGTTGTCGCTACTGGACGACGAAATGGATTTTGATGTCCAGTCAACTGCTGCGCCTCAAC  
GCATTTCTGGGGGAGAACCA

>trans\_c\_7652 Novel Gene

CCCCTTTTAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGCTCAGGGCAGGGACCTC  
CAGATGCGCACACGGAGTGAGGACTCCGCTCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGGGA  
AGTTGTGTCTACGGCCGTT

>trans\_c\_7653 D11349|Chlorella saccharophila (strain 211-1d) chloroplast gene for 16S ribosomal RNA

GTAGGTGGCAAGCGTTGTCCGGAATTATTGGGCGTAAAGCGCTCGCAGGCGGTTCTTTAAGTCTGATGTGAA  
ATCTTACGGCTCAACCGTAAACGTGCATTGGAACTGGGGAACCTGAGTGCAGAAGAGAGAGACAAGGTTCT  
CATGCTGATAACAGGGTGCG

>trans\_c\_7654 NM\_001060210|Oryza sativa Japonica Group Os04g0585100 (Os04g0585100)  
mRNA, complete cds

AAAGGCATAAGTGAATGGGAGACCACCGAAGCTGGGCTGGGCCAAGTGATAGGTTATTGTTGGTTGGCTTT  
GTTTATTTGGGGTTAAGACCCATAGTTATTTGGTGTTTTAAACCTAGGCTTTATGTTGGTGCAATTTGGGCGG  
CGTGTTATTTTTGTTTTT

>trans\_c\_7655 EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

ACCCACCCCGTGACTTAATAACTCATAATCCGATCTCCCTAACTAAATATTTGCAACTTGACAATTTAAACAGA  
CTTTTCAAGTACTTAAATATTATTTAATGGATGAAAACGGGGGGATTTTCAATTCCGATCCATGCAGTAACATC  
GTTTTCAATACATTT

>trans\_c\_7656 GU171576|Ipomoea batatas microsatellite Stv\_lpb\_231 sequence

AGGTTAGTGAAATGGTATGTCTACTCATGACTACCTGCAGAGCAAAGACCCCATTCATCCTCATCCGTATTTGA  
GTATAGAAGAGAGGCATTCTGAGCCGACTACTACGACTACATGCGCATCTAGTGCAGTGGCTTGGAAGCAAG  
CTACCTTTCCCATCTTCC

>trans\_c\_7657 HQ340170|Oryza coarctata ubiquitin 2 gene, partial cds

CTTACAGGGCAAGACCATCACCTTGAGGTGGAGTCTCCGACACCATCGACAACGTCAAGGCCAAAATCCAG  
GATAAGGAAGGGATTCCCCCGGATCAGCAACGTCTCATCTTCGCCGGTAAACAACCTCGAGGATGGCCGTACCT  
TGCCCGACTACAACATCC

>trans\_c\_7658 AB242853|Quercus mongolica var. crispula DNA, microsatellite marker: bcqm76

CTTTGCCCAATCGGCCAGAGACTGATCCAAATTCAAGTACAAGTCGTGTTTCATAGCAATCGGGTGGCTCCGGG  
TGTGGTGATTGAACTTTTAGTATGCCTGTTCAGGGGACGGTGTGCCCCAGAAATCAACAGGATTGTGTCT  
GCCGTGGTACAAAGTGGG

>trans\_c\_7659 Novel Gene

GACATCGATGTTGTTGAGATTCAAGTGTCTATGAATCATAGAGCTCCACAATTGATCATCAGGATTCTCTAGA  
TTTCAATCCCAGCTCGCCTCCTTCTACCTCTGGCAAACCGACCCACTACTCTAGACTTGAGTCTACGGATTCAAC  
TGTTAGTGTAACCTCC

>trans\_c\_7660 NM\_001050728|Oryza sativa Japonica Group Os01g0739000 (Os01g0739000)  
mRNA, complete cds

AGTATTGAATGAGTACCAGCAGATTCAATCTTTTTCTGCATTTAACAGCATCTTCAATAAACTGGACTGTTTG  
GAATTTATGCTTGACCGGTTCTAACTTTGTAGCCAAAGCAGTTGATATTGCTGCATCGGAACTAATCTCAATT  
GCAACTCCTGGACAAG

>trans\_c\_7661 GU227355|Punica granatum RNA polymerase alpha subunit (rpoA) gene, complete  
cds; chloroplast

TTAAGCGCCGTGCCTCAAAAGGTGCAATATACATACATTATTTGACCTTTTGAATAATAGTCCAGACGAACTTA  
TGAAATCAAACATTTTCGCATAGAAGACGTAAACATATATTAGACATTCTCGAAATGGAAAAGAATTTTGC  
ATAAATCACCCCCACAA

>trans\_c\_7662 XM\_002874592|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PHD finger family protein, mRNA

ACATGGGTTTTGCTTGAATCGATCTGCGGTTGTGTTAGTTTTGTGTTTCTGTTGGTGGATTGAGAGGGTTGA  
GTGTGTCTTTTCATGTTTGTCTTCATTTGGGTGTCTCTAGAAGTTGTTTTAAAGTCATGTGGTGGATCAATTT  
TTTAAAAATTTTCTT

>trans\_c\_7663 NM\_001187144|Oryza sativa Japonica Group Os04g0589401 (Os04g0589401)  
mRNA, complete cds

GCAGAGCCACGTAGCAGTGCTCAATCGGATTCAACCAAACCTGCCGCTAAACCGCCGAGTAAACCGGCGAG  
GAGATTACGTCATGGATGGCTTTCAAGGACTCAAACCTTCCCCACAACCCTCATCCCCACTCGCTCAAAAAAC  
CATCTCGGCGATCTGTCT

>trans\_c\_7664 L76556|Spinacia oleracea chloroplast sedoheptulose-1,7-bisphosphatase mRNA,  
complete cds

AGTGTGGCCAGGTGATAAGTTGACTGGAGTGAAGGGAAGTGACCAAGTTGCTGCCGCCATGGGAGTTTACG  
GGCTCGCACGACATACGTTCTTGCTCTGAAAGACTTTCCTGGCACTCACGAGTTCCTTCTTCTTGACGAAGGC  
AAATGGCAACATGTTAAAG

>trans\_c\_7665 NM\_001049953|Oryza sativa Japonica Group Os01g0584200 (Os01g0584200)  
mRNA, complete cds

AGCTCTATCAACAGGAACAAGGAAGAAGAAGTAGAACAGGATTTGTGTTTCAGCATTCGTCTTTTTCTGGGT  
TTTCGTTTGATTTCTATTGCGAGGAAGCTGCAATGATCTTTTCATGGAGGAAAAACAAATTGGGGTTTCTTACA  
AAGTTGATCTTTGTTGA

>trans\_c\_7666 X52558|Pea cap mRNA for carbonic anhydrase (EC 4.2.1.1)

TCAATCATATGGAGGAACCAAATTGGCAACATTTCTGACCACAAAAGCCTCCCCAGGTTGGAAATCAAGAACA  
TGTGATGGGCACACTCTTGAATCAGAGCAAGCAAACACCATGAACTTGGGGCTTTGGCCTTTTGCAAGTTCAC  
CATACAACCTCTGGGTTCT

>trans\_c\_7667 AJ344535|Nicotiana tabacum partial mRNA for cullin 1C (cul1C gene)

ACCTTCTGCGATAACATCCTTAAGAAAGGTGGGAGTGAGAAGTTGAGTGATGAAGCAATCGAAGAGACACTT  
GAGAAGGTTGTGAAGTTGTTGGCATAACATCTGCGACAAAGATCTGTTTGCTGAATTCTATAGAAAAACAGGT  
AAATCTCCGAAAGAGGGAG

>trans\_c\_7668 CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

AAAATTGTTATGCTTAATATCTTAAGTTTCATCGGTATCTGTCTTACGGAGGGAAGGGCGGACCTGCTGGGGG  
GATGATAACCCGGTAAATCTTAAGCATAGGGGGGTCCGAACCGCTGCTCGTGGCGTAACTGCCGCTTCTCGCC  
TCCCCCTCCGGCTATTT

>trans\_c\_7669 NM\_102124|Arabidopsis thaliana Gl (GIGANTEA) (Gl) mRNA, complete cds

GTCACAACCACTTCTTTCTCCTTCAACACTCTGTTGTTCCGTCTTATATATGGGACGATTATAATGAGTCAAAAT  
TCTCCCCGAGACACACATGCCAGAGCCCACTGTTTCAATAATCATGCTCTGTGTCTGGGCAGAATAAGGAT  
ATGAAAGACGAAAAGG

>trans\_c\_7670 NM\_001050602|Oryza sativa Japonica Group Os01g0715900 (Os01g0715900)  
mRNA, complete cds

GTCATATTCTCTTTCTCCTTTTCTTTTCCCTTCAACAAACATTACTCATTTCTATCAAAACCAAGAGACAATGA  
ACAAAGTTCTCCGTTACAGTTGTTTGTCTTTTCGTGGTGGCCGTTCTTGGCAGAGTTCGTGTTGTGAGAATA  
ACAGACCGCAACC

>trans\_c\_7671 AF362990|Prunus persica beta-D-xylosidase mRNA, partial cds

CAAAGACGTATGCACTCCAGCCCACAAACACCTAGCACTCGAAGCCGCAAGACAAGGCATAGTCCTTCTCCAG  
AACCGAGGCGGAGCTCTACCACTCTCCCCACACGCCACCGAACAGTAGCAGTAATCGGTCCAAACTCAGACG  
CTACCGTTACAATGATA

>trans\_c\_7672 EF634319|Ricinus communis phosphoenolpyruvate carboxylase (PPC1) mRNA,  
complete cds

GGGAACTGAAAAAGTCCCCTCAAGAAGTTTTTGATGCCTTGAAGAACCAGACTGTTGATTTGGTCTTAACTGC  
TCATCCTACTCAATCAGTTCGTAGATCTTTGCTTCAAAGCATGCAAGAATAAGGGATTGTTTAGTCCAGTTGT  
ACATTGGGAGCGCTGT

>trans\_c\_7673 AF287258|Vigna unguiculata aspartic proteinase gene, complete cds

GGTTTTTTTTGGTTCATTTTTATATCATCTCTGTCAACTTTTTTCGCTTTGCTTTAATACCTTGTTTGAGATCTAC  
TACTATGGCTACTGTTGCTTCACCTCCTTCTACAGATCAAGCTGCAGATTTGCTTCAGAAGTTGTCATTGAGCA  
AGACACTTGGAG

>trans\_c\_7674 AY189087|Micropleura renifolia 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence

TCATGAGAATTTTAGGGAATGGTTGCCGTCAGCCGCCACGTCCCGGTTCAAGGAATTTTAACCCGATTCCCTTTC  
GAAGTTCGCGCTCAGCGTCTCAGAGACGGGTTTCCCCGCTCTTAGGATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCC  
GTTACATGGAACCTT

>trans\_c\_7675 HM363077|Chasmanthium latifolium photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB)  
gene, complete cds; chloroplast

TCATGATGATATTACTGAAGAACGTCTTTATCAGAATATTTTTGCTTCTCATTTTCGGGCAGCCGATGGCGGCCC  
CCTCACAAGTCCTTAAGGGCTCTCCCTGCACGATCCAATGGAAGGGCCCCAGGATGCAAACGTGAAGTTTTTT  
ACATGTAAGACCTATT

>trans\_c\_7676 X74164|O.berteriana mitochondrion ORF206

AAACAGAATGGTTTCATGTTCTTTTATTGATTGGTTATTTCTCCCTGTTTCGTATCTCTTTTTCCAATTTGGTCTCT  
CTGAGTTTACAAGATTGAATGGCTAATTCGGACCCTCGATTGATTGTTTTCCCCTAATGTTGAGGGCCCCATA  
CAAAGCCGTGTA

>trans\_c\_7677 XM\_002977526|Selaginella moellendorffii ubiquitin-conjugating enzyme 1, E2  
(UBC1-3), mRNA

ACCCCACTCGTCTGTAGAGAAGTGATCTATGATGTTATAATTGCGTTGTAAACAGCAATGGAAACCTGCTGTGA  
TGACTCAGCATCTGAGCAGTGGGTACATACCATCAGAGCTTGATCTATGATGCTATAATTGCGTTTGCCACTAC  
CGTTCCCAAGTACACA

>trans\_c\_7678 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

AGTAGATCATCCACCAGACTTTGGTTCTTGTCTCCTTAGAACTCAAGGACACAGATGTACAACCTATAGAACAG  
ATCCTGTTCAAGTAAGTACAGGTACTCCCTGTTGAAGGTCGTTTCGAGCTTTTCCTGGGAGTATGGCATGGGTT  
ACTTCAGCGCCGTAG

>trans\_c\_7679 GU818110|Adenostyles alpina isolate 1029 external transcribed spacer and 18S  
ribosomal RNA gene, partial sequence

TCGGTGTTTTACTACCAAAGTGTTTAAAGTACACACGCCCAAGTACTAATACTGGAAATTACGATCAAGGATTA  
CTCTATCAACCATCAAGAAAGGGGACTAGAGGGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTC  
AAAGATTAAGCCATGC

>trans\_c\_7680 NM\_001057588|Oryza sativa Japonica Group Os03g0711100 (Os03g0711100)  
mRNA, complete cds

GACTTCTGTCTTAGTGATACGAGTTCTTGAAAGTAAAGGAGCAATAACCCATGATGCTTTTTTGTGCCAAGCT  
TGTGATGCTTCAGTTCACTCCGCCAACTCCTTGGCTCGTAGACATGAGCGAGTTCGTCTCCAACTGCCTCGTT  
CAGACCCTCTTCTAT

>trans\_c\_7681 GU732460|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D36)  
mRNA, complete cds

GAAGCAAGCTCTATAGACGAAAGCACCGCCAGTGACTCCACCTCCATTTCTCCCGTCACCCATTACTCTTCCA  
CTCATCGCCGTCGGCTACGGCGGAAGCAGAATCCCGTAACTTCCATCTTCCCGTTTCAAAGGAGTTGTCCCTC  
AGGGTGAAAAAAAAT

>trans\_c\_7682 XM\_002322573|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB18), mRNA

GCTGGAAACAACCTGGGCTAAGGGTCATTACACTGAAGGAGCTGAACTGGTTGATTCTGTTCTTGATGTGGTTC  
GCAAAGAAGCTGAGAATTGTGACTGTTTGCAAGGGTTTCAAGTTTGCCATTCACTTGGAGGAGGGACTGGAT  
CTGGAAGGGTGTCCCGTC

>trans\_c\_7683 AF223066|*Humulus lupulus* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S  
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed  
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

TGGTAGAATCCTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATTTGTGGACCTCGCGACGGGGGGCCATCGC  
CCTCTCCCCTCCACAGAGAAACGTTTATTCCAAGTCACAACATATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCCC  
TGTTTTGTGCACACTAC

>trans\_c\_7684 EU812234|*Vitis vinifera* MLO-like protein 3 (MLO3) mRNA, complete cds

ACGGAGAAATAATTTCCATTCTCAATGGCTGAATGTGGAACAGAGCAGCGTACTTTGGAAGATACTTCAACTT  
GGGCTGTTGCGGTTGTTTGTCTTTCTTGGTTGTTAAAAGTTAGATCATTGAACATGTCATTACCTCACTGGAA  
AGGTAAGCGTTCCTC

>trans\_c\_7685 EF207453|*Peridiscus lucidus* inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AATACATGCATTAAAGCGCGAAGGCTTCTTATTCCACAACAACGAAAGCACTTTTTCACTCTTTCATATACTAG  
GGGATTTTCGCTTGGAAGAAAGAAATGTTCCATACTAATGGATTTCGGTTCATAACCATGGGTTCGAATGTACGA  
GATCTTGTAGCACTTA

>trans\_c\_7686 GQ998561|*Oxalis latifolia* voucher FLAS:M.J. Moore 316 RNA polymerase beta  
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

AATTCTTTCAACAAAGATGTGAATTAGGAAGGATTGGTCGACGAAATCTGAACCAGAGACTTAATCTTGATAT  
ACCTGAGAACAATACATTTTGTACAGCGAGATATATTGGCAGCTGCAGATCATTTGATTGGACTTAGCGGG  
TTCCGTTTGCACAGGTT

>trans\_c\_7687 U87222|*Pimpinella brachycarpa* elongation factor 1-beta (EF-1-beta) mRNA,  
complete cds

TTACCCCTTGAGCGAATATGTTAACGTATCTAGATGGTTTAATCATATCGAAGCACTCGTGAGAGCCTCTGCTAG  
TTTTGGAGAGGGTCTGGCGTTAAGTTTCGATTGAGAAGCAATCGCCACCCACCGGCTGCCGATATCGGCCGA  
TACATCGATGATAGTA

>trans\_c\_7688 NM\_001072543|*Oryza sativa* Japonica Group Os12g0119000 (Os12g0119000)  
mRNA, complete cds

GAAGATCATAATTTCTCTTATAGTTTCCAAGTTTAGATTCTCATTGTCTCCAGAGTATCACCATTGCCCTTCATAT  
AGAATGGTTGTGGAGCCTGCAATGGTGTGAAGATTGTTTTCCAAGGCTTTGAATTAGGGTCTAAGAACATT  
GTAAATGAGGGGGG

>trans\_c\_7689 X80170|*O.berteriana* rpl2 gene

TTCTCTGACTTTCTCTCTCATTGCGGAGCGAAGAAAGCGGGCTTTGCCCCAGCTACCGCTACCCTTGGGAAA  
GCAAAAGAGCTACCGAAGGAAAGGGATGCTGTCTCTCCCTTGGTCTTTTGAGAGGAGAAGGCGGAGAAGAA  
AAGGTCCTTCGCGCAAGT

>trans\_c\_7690 AM167905|Nicotiana benthamiana mRNA for ALY protein, ALY1693 allele

CACACGACATGTTTGTAGATCACGGTGCGGCTTATCCTTCACATCCTCCACGGGCTTCTGCTATTGAAACTGGC  
ACCAAGCTTTATGTTTCTAATTTGGATTATGGTGTCTCCAATGAAGATATCAAGGAGCTGTTTTCTGAGGTTGG  
TGATCTCTCCACCGT

>trans\_c\_7691 AY104581|Zea mays PCO117879 mRNA sequence

AAAGCAGAACTTGAATCAAGTAATCAATTCCATTGAGAAAACCTTTGGGTATCCTCCATCAGCTAAATCTCACCG  
TTTCTAACTTCAATGCCGCTATCAGCTACCTCTTTTACAACGCCTATAAGAGATCAAAACCTCGATCTATTGT  
ACCAATTATTATGT

>trans\_c\_7692 XM\_001703546|Chlamydomonas reinhardtii component of the exocyst complex  
(SEC6) mRNA, complete cds

TACCTCTGCGGCCACTGAGCAAAAGCCAATTCCCGAGGGACGGAAAATGGTACTGGCTTGACAAATGGTGGG  
GGAACAAAGGGAAACAATGGTGCAGCTCCGATGAAATCTTCATATCAAAATTCAACCGGGTTGGACCCGTAA  
GCGTTGAAAACATTTTGC

>trans\_c\_7693 CP000592|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 12, complete sequence

TGAATTAGTATAATTATAAGATACCTTTTATAACAATCATATTTATTGTAACGGGGTCGCCGGCGCGGTGGCAG  
GGGCGCCGGACTAGAACGCTTGCCTCGCAGTGGTCTCTGTTGTTCCGTTTCTCGCCCCACATTCCCCGACAAAT  
TCGACGCCCTTAATG

>trans\_c\_7694 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

AGTCGTGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAGAACCCCCACTTTGGAAGAAGTTTG  
ATCTGTTTTACCGAGAAGGTCTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTT  
ACACAGAGACGTGAAG

>trans\_c\_7695 FJ858255|Vitis vinifera cultivar Sauvignon Blanc lipoxygenase (LOXA) mRNA,  
complete cds

ACATTCCTTGAGGAACAGGACAGTGAGGTCCGGGACTATCAGGCTTCAAAAGTCTATAAGGCGCAACTCCAG  
CTCCATGTCTGTTCTTTAGATTTGGTTCAGCATTCCTTTTCATCAATTATCCCTTAGCTGTCCTTCAATTTTCCACTG  
AACTTCTCAAATGC

>trans\_c\_7696 XM\_002873978|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl hydrolase family 3 protein,  
mRNA

CAGGGACTCACGCTGACAACTTGGGCTATCAATGCGGAGGCTGGACAATCACATGGCAGGGTCTGAGTGGCA  
ATGATCTCACTGTTGGTACTACCATCTCAATGCTGTGAAGAATACGGTTGATCCTGTGACGCAGGTAGTGTAC  
AACGAGAACCCAGATGT

>trans\_c\_7697 GU045560|Solanum tuberosum glucan/water dikinase (GWD3) mRNA, complete cds

AGTGAAGCTTTTGTGAGCAGTTCAAATATTCTATCAAGAGTTGAAAGATTTCTTCAATGCTGGGAGCCTTGC  
AGAACAACCTGAATCAATCAAGGAGTCTGTTGATGGACATGGCTTGTCTGGCTCTTGCCCACTTCCTGGAGTGC  
ACACCTTGTCACCA

>trans\_c\_7698 EF031066|Prunus persica EIL2 mRNA, complete cds

AAAGGAGAGTGCTACGTGGTTGGCTATTGTAAACCAGGAAGAAGCTTTGGCTAGGAAATTGTATCCTGATAA  
ATGCCACCTGTGTCGATTTGCGGGAGCGGATCTCTTTGATCAGCGACTGATCACTAATACTACAGCTTCCTC  
CCAGGAGCAGGTTGGAT

>trans\_c\_7699 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

CCGAGCCGAAGGGCAGCACTTCTCTACGTGATCGTAGTATCTCACCTCCTCTCGTCCCCGAGCATTTTCATAGT  
ATCTATGCACTATTTCCGGTTCACTGATAAGGAAGATAGAGTTGGGGTGGGGGTTTCATTCTGTGCGCATGACA  
GTATGTGGGGGTCCTC

>trans\_c\_7700 DQ629222|Leucolejeunea clypeata large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

CCGAGGCCGATAGGCGTAGGCGATGGACAACAGGTAGATATTCCTGTACCACCTCATGATTGTTTGAGCGAT  
GGGGGACGCACTAGGATAAGGAATGCGCACCGATGGACGTGTGCGCCCAAGCAGTGAGAAAGTCAGATA  
GGCAAATCCGTCTGGCAATT

>trans\_c\_7701 GQ998777|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 RNA  
polymerase beta' subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCAGACTTTAACCATGTTCTTCCCGTGGATA  
CACTTCTTGATAATGGAATCCGCGGACAACCAATGAGGGATGGCCATAATAAGGTTTACAAGTCGTTTTCCGA  
TGTAATTGAAGGCAA

>trans\_c\_7702 AJ307662|Oryza sativa genomic DNA fragment, chromosome 2

AGAGTGTGCCTCTTAGTATGTACGGCCAAGGCGTTGGGGTGCGCCAGGCCCAAGCAGTAGTGCAACGCAAG  
GGCGACGCTCGAAAGGGGGCCGGCGGGGCTATTGGGATGGGCCCTCCCCCTAGAAAAATAAATTTAATATCA  
TGTGGGCCGATATTCACCT

>trans\_c\_7703 AY819059|Annona montana isolate Taitung-013 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

ACTGTCACCTCATTTATAGAGGGGAATCTGTAAGACACAGTGGCAAGAGTGTAGCTTAGGTTTTTGTATGT  
ACCGATAGCGAGAAATTAATCGGCACAAGACCGTCCATAAGCACACCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCG  
ATCCCGAAGGCCAACA

>trans\_c\_7704 EF688557|Catharanthus roseus cultivar Little Bright Eye 26S ribosomal RNA gene,  
partial sequence

CGGAAGAGTTATCTTTTCTGTTTAACAGCCTGCCACCCTGTCTTTGGGCTCAGCCGGAGGTAGGGTCCAGTG  
GCTGGAAGAGACCGCACGTCGCGTGGTGTCCGGTGCGCCCCGCGGCCCTTGGGGGCCCGGAGGACCGA  
GTGCCTCTCACGCCCGGT



>trans\_c\_7705 Novel Gene

CTTTAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAAATTGCAATAACGAGGAAATGAAAGTTCTTGAG  
CATATGTGTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAAGTTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGGGAAGTTG  
TGAGCATTACGTTTCAT

>trans\_c\_7706 Novel Gene

CAAACAAGTAGTTTTTCGAGGGCACAACAGTGATGTATGTGTGATCAGATGTATGGATTTAACGAAAGAGGAG  
GTGATGATGGAGATGGAGATTAGAAAAGGCTAATGACGAACAAAGCCAACTGCACCTGTTCAATTCATAGTG  
ATTTTCCATCATTGGGCA

>trans\_c\_7707 EF207446|Heuchera micrantha inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CGGGCGAGGAGGGGCTCGCGTCTGATTAGCTAGTTGGTGAGGCAATAGCTTTAAGATCCTTCCATTTAGCAG  
CACCTTAGGATGGCATAGCCTTAAAGTTAAGGGCGAGGTTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAG  
GCACCCAGAGACGAGGGG

>trans\_c\_7708 NM\_105630|Arabidopsis thaliana RPL34 (RIBOSOMAL PROTEIN L34); structural  
constituent of ribosome (RPL34) mRNA, complete cds

ATTATGGATCCCCGCGCTCTGTTGAGAGAGATTCTTGAGCCGTCCCGCGAAAAAGTCCGCGCCTCTTGAGCT  
CAGCTCTAGGAACCGCAGGACCGTGAATCGTGCATACGGTGGTGTTTTATCTGGCAGTGCTGTGAGGGAGAG  
GATCATCCGGGCCTTTT

>trans\_c\_7709 XM\_002884233|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata methyl-CpG-binding domain 9  
(MBD9), mRNA

GAAGGAATTTTGTTCGAATTTCTTCTCCGAATTGCCACCTGCTGATCCCATTGACATTGTTAAGCAGCCTATCAA  
ACATTTCCAAGATGACAAGCAAACAAGATTTGGTGCCTTTGATACTTCTACTCATGTTACTTTTGGGAACCTCA  
CAGGACAAAGTGA

>trans\_c\_7710 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

ATGGATCGACGACAACCTCAAGGTAGATAGTTACAGCGGAGTGGAGACAGAATGTGTATACGAGTTCTTGAA  
AGTAAAGGAGCAATAACCAATTGACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTACTGCGGTGACGATACA  
CATCCCCTCCAGGACGC

>trans\_c\_7711 GQ998075|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 ATP synthase CF1 alpha  
subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

TCCGGCCGGCGGTTTTCACTTACAGAAATGTAAACTGCAGTAGCCACGGATACGATTCTCAATCAACAAGGG  
CAAAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGTCAAAAAGCATCTTCTGTGGCTCAAGTAGTGACTGTCCCCAC  
TTTTTCCAATACTTA

>trans\_c\_7712 Novel Gene

CCCCTTTTAAAGGAGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGGAGGAAATGAAAGTTCT  
TGAGCATATGTGTAAGACAGAAGTCTTATCCATTGATAGATGGAAGTTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGGGA  
AGTTGTGAGCACCGCGT

>trans\_c\_7713 NM\_179581|Arabidopsis thaliana phosphoribulokinase/uridine kinase-related (AT1G80380) mRNA, complete cds

TTCCACTTGGCCAGAGGTTGAAGGACCACTTACAGTCGTCCTATTCGAAGGCTGGATGCTTGGCTTCAAACCA  
CTCCCCACAGAAGCTGTACAGCAGTCGATCCACAGCTCGAGACGGTGAACAACAATATGAAAGTGTATTACG  
ACGCTTGGGATAAGTA

>trans\_c\_7714 NM\_122437|Arabidopsis thaliana serine-rich protein-related (AT5G25280) mRNA, complete cds

CTAGTCCAAGAACAATGAAATTCCATCAACTCCAAGCCTATCCAACAAGATTTTCAGTGGACATAATATCTAAGA  
TTACTAATGGAAGGTTTTCTATTATAAGAAGACAAATCAGACAAGGAAGAGAAGACAGAGAGACTTCTACGG  
GCCCCCCTTTTGAGTG

>trans\_c\_7715 Z84549|H.vulgare BARE-1 long terminal repeat DNA; ID 7RC

AACTGGCTATCGCATGTGAGCAATACAGAAAGGGAACAGGGGAGGTTTCGCCCCGAAAGACATGGCGAGAGG  
TTCAGAGCTTAGCATCCCTGGCTGACTAGGAAGATAAGATCCGAGATTCCCGTCCCTCGCCGACGGGATATGT  
CTGTCTCGGTAATACGTT

>trans\_c\_7716 AY951945|Triticum monococcum TmBAC 60J11 FR-Am2 locus, genomic sequence

TCCATATTCACCTTTTTTTCTTTATTCATCCGCCTTAATGGATCTGGATAGGTTTCTTTAGTTGGTTCTTAGCTCCT  
TTCAGTTTCTAGTCGGACCTCTGAATTCCACTAACCCGGTCCGTGGTAGCTTATTAATTCTATACTATAGTCGGG  
GAATAAATAT

>trans\_c\_7717 CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

AATGGCTTCTTTATTTCTTTATGTTCAAAAAACAAGATTTTTTAAATATGCTGCTCGCGGGGGGGGACCCCAGG  
CTCAGGGTCATCGCCACACTAGCGAGCGGGCTGCTCAGCTCCGAGCCACGTGTTAGGCAGAACCCACGCCTAT  
CGGCGCACGCATGCC

>trans\_c\_7718 Novel Gene

TTTTGGGGGGCTCGTATAATATTCGCTTTTTTTCTTTCCAGATGGGAGGAAAAGAAGGGGGGAGGATAGAAC  
CACTATACTATCACGGTCGACTATACTTAAAAATTTATCCTATTAAATGAAAAACATTAACCCATTATCCTCATC  
CTGGGCGTCCCTTAA

>trans\_c\_7719 GQ916662|Allium ampeloprasum 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial sequence; chloroplast

GGGGAAAAATGCCAAGCCTCTGTTGGCGTTTGCCTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAAC  
TGCGTCGCGTCAGGCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCA  
GATCGCTTAGCCCC

>trans\_c\_7720 GQ917181|Glycine max cultivar Kefeng No.1 rubisco activase (RCA03) mRNA, complete cds

ACAGTTCTCTTGTTCTTGAACCAACATGCTACCATACTCCAACAGCTTTGTCCTGTGACGGTAGTTAGATCTAG  
GTGTCGGTGGTGGCTCTTTTGAAGTTCACAAGCTTCTCCCAATAGCCTGGACTCCAAGTGCACGACCCACTTC  
CTTACTTCGTCATC

>trans\_c\_7721 NM\_001070532|Oryza sativa Japonica Group Os09g0572400 (Os09g0572400)  
mRNA, complete cds

GTGTAGGGCTAACTAGCGGGTTTGGGGAAGTACATCGGAGAGATGGGGAGTAGCAGGGCGGCATCGCACA  
AGTATTGAGCTCAGCAGGCATTTATACAATGAACCTGAAAGCCTTCGATAAGTGCAATGTTGAAGGTCGTTCC  
AGCTTTTCCTGGGAGTATG

>trans\_c\_7722 AB331286|Grevillea robusta chloroplast rpl2, trnH, psbA genes, partial cds and  
complete sequence

GTAAGAGGCTGCTGTACGCCAAGGCGTGGGGCGAACGACGGGAATTGAACCCGCGCATGGTGGATTACACA  
ATCCACTGCCTTGATCCACTTGGCTACATCCGCCCCCTACCTACGCGCGCGCGCGCGATATATATGCAAA  
ATATACGCGCGCGCTAT

>trans\_c\_7723 NM\_126762|Arabidopsis thaliana cytochrome b (MTCYB) (COB) (CYTB) (AT2G07727)  
mRNA, complete cds

CCCAGAAGGCGCTATAAAGGTGGGGGAACAAGAGTTCTCACGATAGTCAAGAGAAATGACTAAAAGAAAGC  
AACGATTCTCTCTTCTTAAACAACCTATATCCTCCACACTGAATCAGCATTGATAGATTATCCAACCCCGAGCA  
ATCTTAGTTATTGGA

>trans\_c\_7724 GQ983554|Agave tequilana 5S ribosomal RNA genes, partial sequence

GACCGGATCCCCATCAGAACTCCGCAGTTAAGCGTGCTTGGGCGAGAGTAGATGATCTGGTTTGTCAACAGG  
TTTCTGAAGATGTGGTACAAAAGGGGTGCGATCATACCAGCACTAATGCACCGGATCCCATCAGAACTCCGC  
AGTTAAGCGTGCTTGT

>trans\_c\_7725 NM\_116497|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT4G02630) mRNA,  
complete cds

AGGGCGGATGTGTAGACGGAGCTTTCTCTTCCTTCTGCCGATAACCAACCAATCGGACGGATTGAATAAAT  
GTCTGATCACAAATCAGGCTCAATGGCCGATCAGCTCTCCAAGCAGACCTCTATTTTGGTCTACGCTTGTGGG  
TTGTTCTTGGGGTT

>trans\_c\_7726 EU338521|Arachis diogeni chloroplast oxygen-evolving protein mRNA, partial cds;  
nuclear gene for chloroplast product

CCAAGACATCAACAATTTGGAGCATGCAGCAAAGATTAAAGAGCAGCTCAGAAGCAGAGAAGTATTATGCTC  
AGACTGTGTCAACTCTCAACGATGTTCTCTCCAAGATTGGTTAGAAGTTTCTGTTAATTTGATGTAAACGGCGG  
GTGTTTCTAAATGCC

>trans\_c\_7727 Z22612|L.albus encoding ubiquitin extension protein

CAAGTTTGACAAAACCTCTGTGGAGTCTTCCGACACCATCGACAACGTCAAGGCCAAAATCCAGGATAAGGAA  
GGGATTCCCCCGGATCAGCAACGATTGATCTTCGCCGGCAAGCACAGGTCTTCGTTAATCCAGAGGTAATCAG  
CACCACGGACTCCCA

>trans\_c\_7728 XM\_002304456|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB10), mRNA

GATACAGTGGTCGAGCCCTATAATGCCACTCTCTGTGCACCAAGTTAGTCGAAAACGCTGATGAATGCATGG  
TTTTGGATAATGAAGCCCTCTATGACATCTGCTTTAGGACCCTCAAGCTCACCAATCCAAGTTTTGGTGATCTCA  
AAACAGGTCGGGA

>trans\_c\_7729 DQ055133|Glycine max dehydration responsive element-binding protein 3 (DREB3)  
mRNA, complete cds

AAAGCCGCTTACAAGCTCCGAGGCGACTTCGCCCCGACTCAATTTCCCTCACCTCAAGCACCATGGCTCCTCTGT  
CGGTGGCGATTTGCGCGAGTACAAACCGCTACACTCCGCCGTTGACGCTAAACTCGAAGCCATCTGCCAAACC  
TTGCGGCTCAGAGT

>trans\_c\_7730 Novel Gene

AAGCTGGAGCTCGGACTCCTACTTCTCCTTTGACATGTGAGATATGATAGTGATATCAATACTTATACTCTTCG  
ACTCCAAACTTTGGACAAGTTGACGAGCGAATATCCTTGTATCGTTTAGGGTTGTTTAATAATAATGTGGGGCT  
AGGGGGTGATCT

>trans\_c\_7731 DQ370443|Eucalyptus cinerea probable ATPase (ycf2) gene, partial cds; chloroplast

ACCGTAATACCCCCAATTGTCCCGCAAATGGGGTCAAATCAATACGTTTCGAAGAAGAAAGATTGGAATATCAA  
TCTCATCGATCTCATAAGTATCATACCAAATCCCATCAATCGAATCGCTAAAAGCTCTTTATGCTCTGTAGATTC  
AGTATGTTAATTT

>trans\_c\_7732 GQ997562|Nelumbo nucifera voucher FLAS:S.B. Davis 1076 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

GAATCGATGGACTTTCATAGGACCCATTTTACTGACGGGGTTTATCACCACTTTAGCTACTTTAGCGGCTTGG  
CCAGTTACTCGAGATTCCCGATTATTCCATTTTCTAATGTTAGCAATGTATAGTGGTCACCGCTTCGGCGGGGA  
CATCTAGAGTTCT

>trans\_c\_7733 AB297387|Cucumis melo var. cantalupensis ETR1 gene for ethylene receptor,  
complete cds

TGGATGCCAACTCGTACTGGATTAGAACTTCAACTATCCTATACTTTCATCAGCAGAATCCAGTGGGATATAC  
TGTCCCATCAATCTCCCTGTGATCAGTCAAGTTTTTAGTAGTAACCGGGCCGTATTAATATAGATGCCGCTTTT  
AATGGCTAGCGA

>trans\_c\_7734 M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
1-2

TGAAAAGAGGTGATGCTGCCATCACATAAAAAACATAAACTTTGAAGCTCAATAGCTAAATACATGGAAATTAA  
ATCATAAGCCGAGATCATAAAGAGCATACTGCAAGTAGAAAGTAGAATTAATACAATGAATTCAAAAGCATCA  
AACCTCTCTTTAAAG

>trans\_c\_7735 AB359915|Solanum lycopersicum LeGAD3 mRNA for glutamate decarboxylase  
isoform3, complete cds

TCCTTAGGTTAAACAAATAAATAAAAAAGATTGTTTACAGGAGAATCTCACCTCATAACCCAAACGGATCAATTG  
GTAATACTGAGCAATGACTGACTAGATCCTTTGGAGAAATTGAGGGTGAAAGTGGGTGGTCAGCTCCAAG  
ATAGTTGATATGAAA

>trans\_c\_7736 DQ122178|Gossypium hirsutum brassinosteroid biosynthetic protein DWARF1  
mRNA, partial cds

CAACGGGTATGGAATTGAAGGAAGCTCCCATCTCTATGGCTTGTCTCGGACACTGTTGTGGCTTACGAGATT  
GTTCTAGCAGATGGCCGAGTTGTTAGAGCTACTAAAGATAATGAATACTCAGATCTTTTCTATGCAATCCCATG  
GTCACAAGGAGTGT

>trans\_c\_7737 NM\_001074437|Oryza sativa Japonica Group Os11g0483000 (Os11g0483000)  
mRNA, complete cds

CCTTCTGGGTAGGGTCTCTTAGGGAAGATTCACTAGCCCCGCCAGTCCACTCAAGATCCTTCAACCATTGGCTT  
TGGGCGAAGGCCGAGAGTCAGTTGCCCTCGGAGTGGGGGAAAGTGTATACAGAATCAACTCTGTGAGATG  
ATACCGTTGTCCCCTT

>trans\_c\_7738 GQ998808|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete  
cds; chloroplast

AAAGAGATATTTTTATTGTTTCTTATCTCCATTACTATATGCATTTCTTCTCTATCTCCCTATTCATAGAGATAG  
AATTCATGTCCGAATTCATGAATAATGGAATAGCCAATTTTTTTTTTCGCGGCCTCCCCACCGTTTGCGGGTCG  
GCCCCGCGGCGG

>trans\_c\_7739 FM992546|Gonatozygon monotaenium chloroplast partial 23S rRNA gene, strain  
SVCK 415

CACGGAGAATCATCACGTAGCCAAGGCGGAGGCTCAGATCAATGGGTTTAGAGAACTTATCAGCACATATC  
ATCAGAGTGGTGCATGACAATCTCATAAGCTCATCACTGCCATAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCCTAGGTATT  
CTCTACCTACCCACCT

>trans\_c\_7740 GQ916661|Ananas comosus 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial  
sequence; chloroplast

CCTTGCGGAGGAACCCTTAGGTTTTCGGGGCATTGGATTCTCACCAATATTTGCGTTACTCAAGCCGACATTCT  
CGCTTCGCTTCGTCCACACCGACGCAGCGCAGTCCCTTCCCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATT  
TTGACATCCCACA

>trans\_c\_7741 EF104509|Triticum aestivum strain CRB-INRA-CFD-15658 xanthine/uracil/vitamin C  
permease (AlperA) gene, exons 12 through 14 and partial cds

CACCTGGGGTTCTCACCTCCGATCGAGAACACACATATGAATAATGTCTATTTCTGTTTTTCATTCACAGTCATG  
TAATGTTGGTCACTTGTGTCCATGGAGTTAATGGATAAGTTATACTAGTACACTCTCTATTCCTCTCAGAGAAG  
AGACTCTCACTC

>trans\_c\_7742 Novel Gene

TAGTGGGATCGTTCGGATTGTTACAACCTCTAGCAGATGGTTTGAAATTGATGATAAAAGAACCTCTTTCACCA  
AGTAGTGCTAATTTCTTCCTTTTAGAATGGCTCCAGTGGCTACCGGGCGTGGCCTGAGTTGATAGGTTTAATG  
GTGCAAGGGGTCC

>trans\_c\_7743 X51690|V.faba mitochondrion coxIII gene

AAAATGGAATATTATCAAGCACCTTCACTATTTCCGGATAGTATTTATGGTTCTACCTTTTTCTTAGCAACTGGC  
TTTCATGGTTTTTCATGTGATTATAGGTACTCTTTTCTTGATCGTATGTGGTATTCGCCAATATGAACCAGTAGTG  
ACCAAGGTCGT

>trans\_c\_7744 AF419806|Prionotes cerinthoides 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGCCCATTAGAAAAGAAATTTTCATCGTGATGGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGAGGAATT  
CCTAGTAAGCGCGAGTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTGTACACACATAAATGATACTTCGTT  
CTCGGCTCTCGCAT

>trans\_c\_7745 Novel Gene

CTCCGCCACTATCCGGTGCTTCATTCAATGGCGTTGACACTAAATACACCTCCATCTGTAAGATTATCCAGCATC  
CAAGCCAATAGAGTTCGATTTCAACCTTCTCTATCCCCAGTTTCTGTTTCTTTTCTAGAAGGAGGCTATCGGTC  
ACCATGATCAG

>trans\_c\_7746 FJ876823|Triticum aestivum cultivar Suneca low molecular weight glutenin (Glu-B3)  
gene, complete cds

GCAAAACCGGCGGAAGTAGTGAACAAGTTTGAATATTACGGCGGATATCCATACCAACCACTATACTACGAA  
GCACCGATGCAGTACCAAAGCTACTCAATGGAAGCTAACCCGAGTTACTACTATAACCACACCATATTGGCGG  
TATACACGCCAATATC

>trans\_c\_7747 DQ224371|Glycine max glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase B subunit  
mRNA, complete cds

ATGTGGCTGAGTTCAATGGGCTTAGATCTGCTTCCCTGAGCTTTCCCAACAATGGCAGAGAAGGATCTTCTTT  
GACGTCGTGGCTGCTCAGCTTACCCCCAAGGTAGTAGGTTCAACTCCTGTAGAGGAGAAACAGTGGCTAAAC  
TTAAGGTGGCAATC

>trans\_c\_7748 XM\_002882496|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SET domain-containing protein,  
mRNA

CAAGTGGATCCATGGATTTGGATGTGACGTTGCCAAAACAACTCAACCGTAGAGTATTTTTGAAACAGCTGGC  
AGTAGATTTGTGCACTAGCGAACGAAGGATACTTTTTCGAAGCCAATATATTCTGAGAAGAAGATTGAGAGAC  
TTCTCTTCTAACAGT

>trans\_c\_7749 EU672878|Malus x domestica CONSTANS-like 1 (COL1) gene, complete cds

ACGACGTCATGAACGAGTTCCAGTTACGCCTTTCTACGACACATCCAACTCTGACAACTCACTCGCTGTAAAC  
CTGGCGCTGCAATCAACTTCCTCGACGACCGTACTTCTCGATGTGACGCTGATGCCGCCGATACATCGTGA  
GCACGACATTCGT

>trans\_c\_7750 D82050|Fagopyrum esculentum chloroplast DNA

TAGCATTGAGAATAATAAACTAAATTGATTCGTCTCCGGTAAGGACCACTCAACAACGGATCATATATTTTTG  
GTAAATAGTCTTTTTTAGTTTTATCATTACATAATTGAGTCCTTTTTGCAGTACATCCCCACAGCCCTGCCCCCT  
AAATGTCGATC

>trans\_c\_7751 EF091878|*Solanum tuberosum* ACRE 276-like protein mRNA, complete cds

CGAGCTGCACTAGAAGCCAATAGAGCAACAGCTTTGATCCTTATTCAACAGTTATCCATTGGATCACAAGATG  
CAAAGACGATTGCTGCTCGTGAGATTGTTTGTAGCCAAAACAGGGAAAGAGAACCGTGCTTTCATTGCAGA  
AGCCGGTGCCATTTT

>trans\_c\_7752 EU161336|*Lepidothamnus laxifolius* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCGACGCAAAACCTTGGGCGTGAGCCCGGGCGGAGCGGCCGTGGTGAGATCTTGGTGGTAGTAGCACCG  
CGGACCCGTCTCGTCCCAGGAAGTGAAGTGGGGAAAGGTTCCATGTGAACAGCAGTTGGACATGGGTTAGTC  
GATGGATTTTACGCTTTC

>trans\_c\_7753 X94299|*L. japonica* mRNA for cytosolic glutamine synthetase

TGGTTTCCCTGGGCCACAGGGACCGTACTATTGTGGTGTGGTGTGACAAAGCCTTTGGTCGTGACATTGTT  
GATGCCCATACAAAGCCTGTTTATATGCCGGGGTTAACATCAGTGGTATTAACGGAGAAGTGATGCCAGGG  
CAGTGGAATTTCAAG

>trans\_c\_7754 AB024277|*Citrus unshiu* mRNA for vacuolar H<sup>+</sup>-ATPase B subunit, complete cds

TCTCTCGCTGCTGTCCACATCTCTCCTCGCCTTCGGTTCCTTTTCAGATCAGGAGAAGCGAAAACAACAGTG  
ATTTAAGTATGGGTGTGGAACAAAACAATCATGATGCAGAGGAGGGAACGCTGGAGATTGGAATGGAATAT  
AGAACAGAGAGACCTC

>trans\_c\_7755 GQ998381|*Heuchera sanguinea* voucher FLAS:M.J. Moore 329 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 7 protein (ndhH) gene, complete cds; chloroplast

CATAATATTCTGGAGAAGAGGTCATAAATTGGGGGTTATCAGGACCAATGCTACGAGCTTCCGGAATACCATG  
GGATCTTCGTAAAGTTGATCGTTATGAGTGTTATGACGAATTTGATTGGGAAGTTTCAGTGGCACCCCTGGGGC  
GATTCATTAGTCTT

>trans\_c\_7756 HM066935|*Nicotiana tabacum* transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,  
complete sequence

AGGGGGCGCTCTGTTTCTCTCAATGGCAGTGATGAGCTTATGAGATTGTCATGCACCACTCTGATGATATGTG  
CTGATAAGTTTCTCTAAAAGAAAAGCAGTCTTTCCTCTCATGGAGAGTTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCT  
GGCGGCATGAGGC

>trans\_c\_7757 DQ629318|*Polypodium polycarpon* large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

TTACCCGACAAGGAATTCGCTACCTTAGGACCGTTATAGTTACGGCCGCCGTTACCGGGGGCTTTACAGGC  
ACCCTGTCCTGTCATCAGGTCACCAACTTCCTTGACCTTCCGGCACTGGGCAGGCGTCAGCCCCCATACATGGT  
CTTACGACTTTGC

>trans\_c\_7758 FJ797564|Gossypium hirsutum chloroplast chlorophyll A-B binding protein (CBP2) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TCACTTCATTTCATACCCATTACAACCTCTTTCTGAATCATTCCAATGGCTGCCTCTACAATGGCTCTTTCTTCTCC  
ATCTCTGGCCGGCAAGGCCGTGAAGCTCTCCCCAATGCCCTGAAATTCAGGGAAGTGAAGAATCACCAAC  
TTCCCCCA

>trans\_c\_7759 DQ306808|Hevea brasiliensis isolate SSH79 mRNA sequence

GGCGACGAATTTGGGAAGCAGGACGATCTTATTACTGTGTCACTAAGAGTGTACCGTGTTCCTCTGTACCAAG  
ACGCAACAAACCAAGACGGGTTGATTGTACTATTCGAGCTGGTGCATTCGTGCAGTTGAATCAAACCTTCAA  
AATGGTGCATGGGT

>trans\_c\_7760 Novel Gene

CTCTAGACCTAGAGTAGTGGTCCTGGAACGAGCGACCGTCTATTCTGAAGACAGAATGTGTATACGAGTTCTT  
GAAAGTAAAGGAGCAATAACCAATTTCTTGTCTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTTAAATCGTTAAGCC  
AGACATTATTAAG

>trans\_c\_7761 GQ997518|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333  
ribosomal protein L22 (rpl22) gene, complete cds; chloroplast

TTGGCCGGTCGTTTAGACATAACATGTTTCGATAAGGCATGAGTTCGAGTATCATCATTGTTTCTTCGTAGGAAC  
GTCCACGAATCTGATCAATTACTCTTCGCGCTTTGTGAGGGGACATACATATATGTTGACCTAAAGCGTATACT  
TCAGATTGATTT

>trans\_c\_7762 NR\_023046|Arabidopsis thaliana (AT4G34332) otherRNA

GAGACCATTGATAAATTGAGTGTACATGCTACTAAATGCAGCACAGATGTAACAAAGGCAAGAGAAGTCATT  
CTTCAGAAAATAGCAAGGCAATCTAACAGCTGATAACACAACCTCCTTCAATCAGATTTGCTTCTACGGCTCATC  
AGTTGTCCCCAGGG

>trans\_c\_7763 AF419999|Closterium spinosporum var. crassum 26S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GTTATCCCTGTGGTAACTTTTCTGACACCTCTGCTTAAAACCCAAAAGGTCAGAAGGATCGTGAGGCCCCGCT  
TTCACGGTCTGTATTCGTACTGAAAATCAAGATCAAGCGAGCTTTTGCCCTTCTGCTCCACGGGAGGTTTCTGT  
CCTCCCTGAGCT

>trans\_c\_7764 M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
1-2

CTTTTTCGTTTAGGATCCCTTTTCGACATTCAATTCTTTCTTTTCTTGGTGTGGAATCACAATCATTACACATTC  
ATTCTTGGTCTGGCTGCTGGTCTAGCGATCCCTCCTCTCCTAGCCGCCCTCTCCGCCCCAATCCACTCAAACAAC  
ATAGTTTGG

>trans\_c\_7765 EU373019|Gossypium hirsutum gland development related protein 27-like mRNA,  
complete sequence



TCAGTGGAACAAGCCTTCAGTTGTTAAGGCGTTATGATAACAGACCAGAAAGTTACAGGGCACAGCTGTTGG  
ATGATGATGGTCCAGCATATGTTCCGGGTATTTGTTAGCATTTTACGTGATATATTTAAGGAAGAAACAGTGGA  
ATATGTTCTAGTGCA

>trans\_c\_7766 AJ271079|*Oenothera elata* subsp. *hookeri* chloroplast plastome I, complete  
sequence

AGGTTACGAATACCATCAATATCTACTGGAGGAGCAGCAATGAAGGCAATTCTAAATAATTTGGCGACGAAA  
AAACTACTTGAATAAAGGAAAGAATTAAGACAGATACCGATGAACTTAAGATATTAAGCATAACAACCTTCC  
ACCGGTCTGTTAGG

>trans\_c\_7767 DQ785847|*Cucumis melo* subsp. *agrestis* maturase K (matK) gene, partial cds;  
chloroplast

CAAGTGTTTCGATTAAATACTTCAGTGGTATGGACTCAGATGTTAGAAAATCTGCCCTCGGCGAGCGGCATCGT  
TGGAGGGTCTAGCGTGTCTGACCTTCGCCGCCGTCTCATCCAAGCTGCCAATCGGGATAGGCGGGGTGCCATC  
TCCGAAGTGCTTTGC

>trans\_c\_7768 X56233|*P.deltoides* mRNA for malic enzyme

GGGCATGGAATTTTTGTTGTGCCGTGGGTCTCGCAATAAATTATATCCACTCGCAACAGACACGCTCCAAGGT  
GTCATGATTTGTTTCATCCATGGCAGCGGCAGAATCTTCAACATAGGCATCCTGAGCCCAAGAGCCGGCGGTGG  
ATTTGGGTCCACT

>trans\_c\_7769 EU870518|*Nicotiana tabacum* RAV mRNA, complete cds

AACTCCCATTTCCAAGGCGGAGATCGTCGACATGTTACGTAAGCATACTTATTTAGATGAACTCCACCAAAGCA  
AACGAAACGCTGGGTTATCCGGTTCCGATCGTAAACGAAACCGTTTGTATCCGGTTCCGATGATGAACCGGA  
CGACTTCTGCGTAC

>trans\_c\_7770 AB514944|*Brassica oleracea* rps16 mRNA for ribosomal protein S16, partial cds

TTAGAGGTTATGGTAAACTTCGTTTAAAACGATGTGGTAGAAAGCAACGAGCCGCCCCGCTAGGCTGCCATG  
GCCAGCACCTAGCATTAGGAGAGGAAGGAGAGCTCTACGGGACAAACCCCCGCATAGGCTATTTCTTATGG  
GGGATATTAAAGTTTC

>trans\_c\_7771 DQ629277|*Leiosporoceros dussii* large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

TTACCCGACAAGGAATTCGCTACCTTAGGACCGTTATAGTTACGGCCGCCGTTCACAATTTTACCCGTGAATG  
TCCTGTCCTGTCATCAGGTCACCAACTTCCTTGACCTTCGGCACTGGGCAGGCGTCAGCCCCCATACATGGTC  
TTACGACTTTGC

>trans\_c\_7772 FJ185401|*Corylus avellana* isolate cav.tr.F10R11.110 NBS-containing resistance-like  
protein gene, partial cds

ATTCTGTCTGTGTAATTACTCTGAAGCATTCTACCTCAGGTTCAATGAAATTATTCCTTACCACATGATCTGAT  
CTTTCCTGCAGTCATTACATAACATCAAGATCTCATAAATACTACTTTAGTGACAATGATAATCGGCATGTCCA  
CGCCAAACAG

>trans\_c\_7773 XM\_002883111|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata catalytic/ coenzyme binding protein, mRNA

TATACAATAGTGAGACCTGGAGGCATGGAGAGACCTACAGATGCTTTCAAGGAACTCATAATACTACTCTTT  
CGCCAGAAGATACCTTATTTGGTGGTCTAGTGTCAAACCTTCAGGTTGCAGAGCTAATGGCATGCATTGCAAA  
AAATCCTGATCTTT

>trans\_c\_7774 AM040267|Capsicum chinense partial mRNA for Phi-1 protein

CATTAATGTCGTTTTAACAGCTTCTGATGTGACTGTTGATGGGTTCTGTATGAGCCGTTGTGGAACATGGGT  
TTGGTTCACGGGTCCGCCGTGGCAGCGCTGGAGTCAAAGGGAAAAATTATAAATTTGCTTACATTTGGGTTGG  
AAATTCGAAGGG

>trans\_c\_7775 CT029363|Poplar cDNA sequences

AAGACAAGATGGGTCAAGGGCATTTCATCAGATACTGGAATCTTCAGGGGTCATTGGACGGGAAAACTTGGAC  
AACTTGCGAGTACATGAGAACGATCAGACGGTCTGCAAACCTGGTCAGTTTGCATCATGGCCTGTAACACCT  
GGTTTGCGAAATGAA

>trans\_c\_7776 AY551530|Thlaspi caerulescens chloroplast carbonic anhydrase precursor mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CTGCCCCTTCCCCTATTATCACCCCCACCTGGAGAGAAGATATGGGGAATGGTTCATATGAGGAAGCCATTGA  
AGCTTTGGAGAAGCTCCTCAGAGAGAAGGGAGATCTGAAGGCAACAGCAACATCAAAAGTGGAACAAATAA  
CAGCAGAAATAAAAAC

>trans\_c\_7777 AJ507600|Selaginella bombycina partial 26S rRNA gene

CTCCGTGCGCGTAAAGTTTGAGAATAGGTTAAGGTTGTTCAACCCCAAGGCCTCTAATCATTCGCTTTACCT  
CGAGAGAGAGAATCTCCTCAGCTATCCTGAGGGAACTTCGGAGGGAACCAGCTACTAGACGGTTCGATT  
AGTCTTTCGCCCCCT

>trans\_c\_7778 X57073|S.oleracea AHRI mRNA for acetohydroxy acid reductoisomerase

GTCTGCTCCGCAAGATAGATAACCCTCGTGACAGAAGTGCGGAGTGCTCTAGTGTTGTTGCAAATGTGAATGG  
AGAACCAAGTGCAATGGACCAAGTGTGGTCTGTGGCTCTGCCATCAACATCCTGGTGAAGTGCAAAACCTAGA  
ATTAATTCCCGCG

>trans\_c\_7779 NM\_001049669|Oryza sativa Japonica Group Os01g0501800 (Os01g0501800)  
mRNA, complete cds

ATCAGTATCAGAAGGCTGAATACTCTCAAACACACCAATAACTTCACCAGTCTCAGGCTTGCTCTTGGTCACAC  
TCAAAGTGATTTTCCCTGTTGAAGATGAAGCATTCTGCCCCATAGAACTGTCTACCTGAGACTGTCCCTTGG  
CCCGTAGGTCC

>trans\_c\_7780 NM\_129770|Arabidopsis thaliana ATNUDX23 (ARABIDOPSIS THALIANA NUDIX  
HYDROLASE HOMOLOG 23); FAD diphosphatase/ hydrolase (ATNUDX23) mRNA, complete cds

TTCCGCATAAGAAGGCTCAATCTTCCTCCTACAAAGTAAGACCTTGTTTTCGTGATGAATCAAACAACCCACCA  
CCATCTTCGGATTTTGATACGTTATCCTCCCACAACTGTGCAAATAGCTCTCAATTTCTCCTCTCCATCAGGTAT  
TCCATGCTT

>trans\_c\_7781 AB525646|*Jatropha curcas* DNA, microsatellite marker JCT10

CAAGGAGTGCAGTGATGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAAGTAGGTTGGGTCTCAG  
CAGACTCTTTCAGCTCCTTATCACTTGCGGGAAAACCCCTCCTCTGGCTACACTTGCTCCCTTTAGTGTTGTTG  
TGCGCCAAAAAC

>trans\_c\_7782 CP000581|*Ostreococcus lucimarinus* CCE9901 chromosome 1, complete sequence

TGAACCGGTCCGTGGTAGCTTAATTACGAGTTATTTACATAACCTAGGACGGACCCTTATTTAAGAAATCCTCC  
TTATTCATTGAGGACCTTTGTTTTGGAGGGGTCAAGACGAGCGAAAGCGGCTCGTCTGTCAGGAGAGAAGAT  
AGGATTGTCTAGT

>trans\_c\_7783 AY237151|*Tasmania lanceolata* ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds;  
ribosomal protein S7 (rps7) gene, complete cds; and NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) gene,  
partial cds; chloroplast

AAACATGGACTGGGATCACTGGCTTATCAAATTATCTATCGAGCCATGAAAAAGATTCAACAAAAGACAGAAA  
CAAATCCACTATCTGTTTTACGTCAAGCAATACGTGGAGTAACTCCCGATATAGCAGTAAAGGCAAGTGTGTG  
CAATAAGCTAACT

>trans\_c\_7784 AJ415386|*Betula pendula* partial mRNA for cysteine proteinase (cyp2 gene)

GAGGAAGCTGGTGCATGCGACGCAGGGTGCAACGGGGGACTAATGACTTCAGCTTTTGAGTATATTTTGAAA  
GCAGGTGGGTTAGAGAGAGAGGAGGATTATCCTTACACCGGCACGGATCGTGGCTCTTGCAAATTCCATTTA  
CATGGGTAACACGCC

>trans\_c\_7785 Novel Gene

AAAGACCTCTGGGAGTTGAAATCGTTGAGGAGATGTTGTCTGATGAGATCGAGAGTGGAAGCGTCATCCATG  
GAATTGGTTGATTGGTTATGAAATTGGAGTCCTCTTTAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAGGAG  
GAGAGCCTTTCTGGTT

>trans\_c\_7786 AJ428413|*Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

ACCTTATACCGCCCTGACTGCCCTGAGCTTGGGCGTCACAGGGCACTGACAGGGCGGTGCTCTGACCAATTGA  
ACTACAATCCCCAAAATACCCAACAAGCATTAGCTCTCCCTGAAAAGGAGGTGATCCAGCCGCACCTTCCAGT  
ACGGCTACCTTGT

>trans\_c\_7787 AF082030|*Hemerocallis* hybrid cultivar senescence-associated protein 5 (SA5)  
mRNA, complete cds

TCTACCAAGAACACTTTATCTTCATAACAGTCTGGGTGTTGCAAACCGGCAGATGAGTGTAATTTACGTACAA  
GACACCGACTCAGTGGGAAAAACCGGCAAATGTTTCAAGTTTTTGAATCCGGAAGTGTGGGTTGTGGGATATA  
TTCAAGAGTTTC

>trans\_c\_7788 GQ998140|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TTACCCGACAAGGAATTCGCTACCTTAGGAATGGCGCGTTACGGCCCGCCTTACCCGGGGGCTTTACAGGCA  
CCCTGTCCTGTCATCAGGTCACCAACTTCCTTGACCTTCCGGCACTGGGCAGGCGTCAGCCCCATACATGGTC  
TTACGACTTTGC

>trans\_c\_7789 NM\_126764|Arabidopsis thaliana ribosomal protein S4 (RPS4) (AT2G07734) mRNA, complete cds

CGGTCAGAATGTGGAGAAGAAATCAAAGAGAATGGTTCCACCTACTCAAACTCAGAGGGGATGCCGCCTAC  
TACGAAAATCCCGGTTTTTGAAGAGTTGCGTTCTTCTATGCAAGAAGAAGACTTAGAAAGAACAAAGAAGTT  
TGGATTGGAAAAAG

>trans\_c\_7790 AF164026|Xanthoceras sorbifolium farnesyl pyrophosphate synthase (FPS) mRNA, partial cds

CATATGATTGTTGGGTAAATCATCTTCCAAAACACGGTTGCTATCAGCCATATTCTTGTGTATAAATGCTTTCT  
GGTAATTTGGTAATGATGTGTTTAGGAATATTGATGTGGGGGACATACTTCTCTTTATATGATTGTGAAGTG  
GGGGAGGCCCG

>trans\_c\_7791 GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

TTTGCTCTAATTGCTAATCGCTGGTGATGTGGTGTATAGGATTTTCTATATTTGTTCTCTTCACCTCCATAAC  
CAGCTAGATTGCAGACCAACCTTACCCCTTCCCAGATGGTAGCTTCAATATCATCTCTGTCAAGGTTGGGAC  
ATTCAAGGT

>trans\_c\_7792 EF469874|Helianthus annuus RFLP probe ZVG15 mRNA sequence

ACGAAAGATTGGCTCAACGGCTAACGATCGAAAGCGTTGTGGATGTTCTGCAACTCGCGAGGCTCTGTAAC  
GCGCCGGATCTTTATCTCAAGTGTATGAAATTCGTCGCCGATCATTTTAAATTCGTCGAGAAAACCTGAAGAGA  
GAATACCTAGGGGC

>trans\_c\_7793 NM\_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

TACCACCAATGAACGCTACAGATGAGGAAGAGAAAGATAAGGTGTCTACTCCAGACCGTGATCAATACAACA  
AATCAGATTTTCTGAAGACGCGTAGTCTTCCAAATCTTTGTTATTAAATCATACAGTGAAGATGATGTGCAT  
AAAAGTATGTTCA

>trans\_c\_7794 AF073744|Cucumis sativus raffinose synthase (Rfs) mRNA, complete cds

TTTCTTTGGTCCCTCTTGGGCAGAGGCAGGACTTCCTGTACATCTCTCCGCCTTCTCCGGCGGGACCAACCCG  
ACCTTATGAAGAACAATCTTATCCACCGCCAAATCCTCCATCGTCATCTGCAACCCTGGCGACAGCACCGGCTG  
AATCACACGTG

>trans\_c\_7795 NM\_126762|Arabidopsis thaliana cytochrome b (MTCYB) (COB) (CYTB) (AT2G07727) mRNA, complete cds

TGCCATAACGCCCATTTCTGGGACGAGTTGGAAGAGGAATTCCTAATTCTTACACGGGATGAGCCCGTCCTCCG  
GACTGACGGCTTTCCTGACTGAACTTTTTGTTCTTGGACTGATTTATGGAATTTTATTGTTCTAAGAAGTGCTAA  
CGGAGTCACAC

>trans\_c\_7796 AY110158|Zea mays CL11825\_1 mRNA sequence

AGTGAATCCATTCAACCTCCGAAGAATAAGGAGCAACCAAATGAAGTTCCACATGAGAAAGAATCAGAAGTT  
ATAGCAAAAGATATTGATGAATCCTTAGTACCTTCCAAGGACATGGAAGGGCCAGTTGAAGGTTTTCTGTGA  
TTGGATCTGAGGAA

>trans\_c\_7797 AL161577|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 73

ATATATTAGCCGACCTTCGTTTGAGTTCCATCTTTCTTTAGTGGATAAAAGCGTCCGTCCTCACCTCAGGCAT  
TGAATGAGTGGAAAATCTGCTTCAATTATCAGGCTCAAAGAATTTGACTTTCATTAGGGTCATATTCATCTGT  
CTGTCTCTTT

>trans\_c\_7798 NM\_114545|Arabidopsis thaliana PTAC16 (PLASTID TRANSCRIPTIONALLY ACTIVE  
16); binding / catalytic (PTAC16) mRNA, complete cds

CCACTTACAATGTACTCGACGGCCTTTCATCGTTCTTCAACAATCTTTCTCCCGATCTCAGCCATTGTCCGTGG  
TGGAGCTCTTGCAGAAAATAGCTGAAACCGACATCGGCTATACGTTTCATCAAGACGATAAACAGATCAGACTG  
GTACAGACTGA

>trans\_c\_7799 NM\_001070876|Oryza sativa Japonica Group Os10g0321700 (Os10g0321700)  
mRNA, complete cds

CCGTTCCAGTTTGTCTCTCTGTCAAGCTGTACGATGGATGTCTTCCATGGAAAGTTCAAAGTTTTTGTCCGGAG  
GTATTCGTTTCAGCACTGATGATCAAAGTCTCAGGGAAGCCTTTACCAATATACCCCTTCATCAGCTTCGATCCC  
AGTATACGAG

>trans\_c\_7800 EU017207|Scaevola aemula envelope membrane protein (cemA) gene, partial cds;  
chloroplast

TCAAAGACTCGGTGGTTCGCGGGATCCTGCAATTCACACCAAGTATCGTTCGCATCGAAGACGTGTGCATCTT  
GATCAATTGGATCGTTTCTTTGTAGATTCCGATACGAAGCTTTGTAGATGTGTTTCTGGGTCCCTGTTAATCAT  
TACTCCGATCC

>trans\_c\_7801 Novel Gene

TGTTTCATTAGTGTTTCAGTTTGTGAACTTTGTTTTGGTCCATTTTGTTCCTTCCACTTCCACTTCCACTTCCCT  
CTTGCTTTTGCTTCTTCTCCTAGATAGAAAGCTTCTGCTTCTGACAAACGTACAAATCAAACAGAAATTTAC  
TCTCTTG

>trans\_c\_7802 XM\_002875190|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase  
family protein, mRNA

TTCAGCAAGACAGAGACCAGAAGCAGCAGCTTCCTTCAGAAAAATTGTACACAGTACCAAAACCCGAAGGCA  
AGCTTCACGAATCATGGGTAGCTCCATCCTAAGCATCTCGCAGTCTTTGATTGGATCAAGATTTTCAATATACTT  
GAGCTCATCATC

>trans\_c\_7803 NM\_001049669|Oryza sativa Japonica Group Os01g0501800 (Os01g0501800)  
mRNA, complete cds

ATCAGTATCAGAAGGCTGAATACTCTCAAACACACCAATAACTTCACCAGTCTCAGGCTTGCTCTTGGTCACAC  
TCAAAGTGATTTTCCCTGTTGAAGATGAAGCATTCGTGCCCCATAGAACTGTCTACCTGAGACTGTCCCTTGG  
CCCGTAGGTCC

>trans\_c\_7804 AJ272011|Nicotiana plumbaginifolia mRNA for oligouridylate binding protein (ubp1  
gene)

AAATCCAATGAGGACGCACCTGAGAACAATCCTCAATACACAACCGTCTATGTGGGAAATCTTGCTCCTGAGG  
TACTTCAGTTGATCTCCACCGTTATTTTCATGCCCTTGGTGCCGGGACAATTGAAGATGTTAGGGTACAACGG  
GATAAAGGTTTT

>trans\_c\_7805 AY177420|Citrus aurantium 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CACGTTTGGCTGATCGAAGCCTTTTGATTTTTTTTCGGGCTGTCTGCCGCGCGACAGCGCGAACTTCGAAAGGG  
AATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCCTAAAATTCTCATGGCCGCCC  
CCGGAGCCCCCTC

>trans\_c\_7806 AY045622|Arabidopsis thaliana At1g59710/T30E16\_31 mRNA, complete cds

TCAACCATTTTTCTCATTCAATCCTATAAAATTTTTTCCCAATTTCTTCCAGATTCATCATAGCTCGACTGTTATGG  
ATTTGTTTCGCAATGCTAAAACGATCAGACTGCGAAGCCACCACAAGAAGTATTTATCCGCTGATGACTCGTCT  
TCCGAATGA

>trans\_c\_7807 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

GGGTCTTCTGGGCATTTTGCAAAAATGTCCTTCTCTCTTTTGGTTTTGGATAATTTTGAAAATCTCCATTACTA  
ATCCTTTGTATATCTTGGTGTCTTAACCATCCACTCATTAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTA  
CCTACCCA

>trans\_c\_7808 FN563086|Nephroselmis olivacea plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain NIES-483

TCATTTCCAAGTGCCCCAGTTTCTGTCTTGCCGCGGGTACACTGCATCTTCACAGCGATTCGATTTCACTGAGC  
CTCTGCTGGAGACAGCGCCGCCATCATTATGCCATTCGTGCAGGTCGGAACCTACCCGACAAGGAATTTGCT  
ACCTTAGGAC

>trans\_c\_7809 Novel Gene

CTATGGAGGGTCCCACTCCAGTATCCGCTTTGATTCATGCAGCTACTATGGTCACAGCTGGCGTTTTTCATGATA  
GCAAGGTGCTCCCCTTTATTTGAATACTCACCTACGGCTTTGATTGTTATTACTTTGCAGGAGCTATGACCCCC  
GGGGTGTAG

>trans\_c\_7810 GQ917180|Glycine max cultivar Kefeng No.1 alpha-form rubisco activase (RCAalpha)  
mRNA, complete cds

GGGAGTCCCGAAGAACAACACTGAACTCGGAACCGAAGTAGCGGATCCAGAGCCATTCAAGCTCAGCGGTGCAT  
GGTTAACGACTCCGACAGAGGCAGCGGAGGCGGCCATGGGGACTTGGAGTAGTGAGTAAGTATTTGGCAGA  
AAAGGAAGCCTAAACT

>trans\_c\_7811 NM\_148107|Arabidopsis thaliana CBS domain-containing protein /  
octicosapeptide/Phox/Bemp1 (PB1) domain-containing protein (AT5G50640) mRNA, complete cds

TCGAGATGATGATAATGACTCATCAGATGATGGATCAGGGCCATTGAGGCACCATGAGCGTGTACTGCGACA  
AACGACTCCAGATAATGCACCTTGATGATTAATGTACGTGGTTTTATTTGATTCTCATGCACTGAGGATGCAA  
CCCGTTTCGTCC

>trans\_c\_7812 GQ998140|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 23S ribosomal RNA (rrn23)  
gene, complete sequence; chloroplast

AACTACGGAGTTGCGTATGTTTTATCAGCGCCTGCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATG  
ACAGGACAGGGTGCTGTAAAGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAACATATTGCCAGGATTCCATCGCTTTAAG  
GAACAGCCCATTCA

>trans\_c\_7813 EF207454|Pterostemon rotundifolius inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

AAAAATATCTCACACTCTCTCTATGGCAGTGATGAGCTTATGAGATTGTCATGCACCACTCTGATGATATGTGC  
TGATAAGTTTCTCTAAAGGACCCCTAGACTCTTCTCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTG  
GCGGCATGAG

>trans\_c\_7814 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

GCACAACTAGTTATATAGGAACTAAAGATATATCTAATCCGCCCTACTACTGTGAATTTATATAGCGCTTACAA  
TAAAAGTCCTTCTGTTTCGGCTGTAATGTAATTTTGATTATTTTACTTATTCCGTGAAACGGAATATTTTACAGT  
AAAAGAGGG

>trans\_c\_7815 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)  
gene, partial sequence; chloroplast

GGTGTGTCACGCTGACCTAGATCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAA  
AATATGAACTTCATACACCTTAAAGTTGTTTCATAAGATAGGACGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGA  
GAGTCGTTGTT

>trans\_c\_7816 X02965|Silene pratensis mRNA for plastocyanin precursor

TCCGCCGCCGTCGCTATCCCTTCCTTCACCGGCCTCAAATCCTCCTCCTCCAAACCCACCTCTGCCATCCGCC  
TCCCTTCCCCTGCATCCCCAAAGCTTAGCGTCAGAGCCTCTCTTAAAGACGTCGGTGTAGCCGTTGCCGCCACC  
GCCCCCT

>trans\_c\_7817 AY726670|Glycine max nitrate and chloride transporter mRNA, complete cds

CGTGTAGTCTCCGGATTCGTATCGGAATATTTCTGGAAAAAGTACAAAGTCCCACGTCCTCTATTTCTCTTCGT  
GACGCTTATTCTGTCTGCATCGGTCATCTTCTAATAGCATTCCGAGTCCGAATTCATTGTATTTTCTTCAATC  
ATAATCGG

>trans\_c\_7818 HM746724|Arachis batizocoi 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACGGAAGGGCACCACCAGGAGTGGAGCCTGCGGCTTAATTTGACTCAACACGGGAAACCTCACCCGGCCCCG  
ACACGGACAGGATTGACAGATTGATAGCTCTTCTCGATTCCGTGGGTGGTGGTGCATGGCCGTTCTTAGTTG  
GTGGAGCTTAAAC

>trans\_c\_7819 AJ277288|Vicia faba enod12 gene

GGAAATAAGAATCTGTATGACGCTAGGTAATCTCAGTTATCTCTGCTTTAATTCTTCTTTCATGCTGGTATC  
AGTAACACTAGCGGTTTACAGTATAGAACTTTTCATGTAATATCGTATTGTGATATATAATGCTATTTGCGGGC  
GCCGCGCCC

>trans\_c\_7820 FN563088|Prasinococcus capsulatus plastid partial 23S rRNA gene, strain CCMP  
1202

CGAGACAGTGCCCAGATCGTTACGCCTTTCGTGCGGGTCGGAACCTACCCGTAGTGTTGAATTTGTGTGAGTC  
TGTAAGTTAATTAGGGTTTAAGTCTGCTGACACAGCCAATGATCGGATGACTACTTCATATGGTATCGTATCGTC  
GATGATCGTAA

>trans\_c\_7821 AC225784|Oryza australiensis, complete sequence

ATGTTTCTATTTATTTTGTTCGGGCCAACTGAAGATCTCCCCGTTCCAAGGGGCTGCGTGACCGTTCTGTAA  
GAGACCGATTATGTTTGTGGGCAGCGCGGGCGTCGTACCATCCCGATCCCGTCTGTGCTGACGATGCGTCCG  
GCGCGCCGAGA

>trans\_c\_7822 AY103493|Medicago truncatula type IIB calcium ATPase MCA5 (MCA5) mRNA,  
complete cds

AACTGGATTTCGTTTATTAGAAGAGAGTACCCCGAAACGAAAAGACCATCTGCTGGTACCTGGTCACCCATGGC  
AAGATGAACAATGTCACCAGGAAGAAGTTCGTATATAGAAATCTTTGTCTCAATCCATGTCTGGTAACCTGA  
ATTGCAATCTTC

>trans\_c\_7823 AJ236704|Humulus lupulus H17SL-2 gene and 7SL RNA pseudogene

CACTCGAACATTAGGTTTACCTCCGTAATTATGTGGCTGGAAGCGGGCTCAACCCATTCGGTAGGGTCTCTTTG  
GGAAGACTTACTAGCCCGCCATTCCAAGTAGGAAGTTGGGCCTTTGGCTTTGGGCGAAGGCCGATAGTCAA  
TTGCCCTCGGGA

>trans\_c\_7824 GQ998284|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 16S ribosomal RNA  
(rrn16) gene, complete sequence; chloroplast

GAGGGCGCGAGGGTGAGCTAACTCCAAAAACCCGTCCTCAGTTCGGATCACGAGCTGCTTGAGATTCATGCA  
GAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGAATTCGTTCCCGGGCCTTGACACACCGCC  
CGTCACACTATGG

>trans\_c\_7825 EF584577|Mida salicifolia isolate 4233 18S small subunit ribosomal RNA gene,  
partial sequence



TCCGTGACTGGCGGATGGGAACAACATTCTAATTCGATGGCTTCTCGCTGCCCCCAAGACACTGCGTAATGT  
CCTTCGCTGGCCACAAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATT  
CTCCGATCCCC

>trans\_c\_7826 NM\_001161003|Arabidopsis thaliana TSD2 (TUMOROUS SHOOT DEVELOPMENT 2);  
methyltransferase (TSD2) mRNA, complete cds

AGAACCAAGCATTGCAGGAAGACCCCTTTCAAGAGTTAACTGAACCTGACTGCCTGAAGCCTCATAATTTGCT  
ATGCACATCGTTAAGAGATGTTTTGAGAAAAGATGTGCTCCAAAACCTCCATAACCACACCCTATATCCAGAAT  
GGTTCTTACCC

>trans\_c\_7827 FJ899109|Prunus avium voucher cjjd09(E) tRNA-Lys (trnK) and maturase K (matK)-  
like gene, partial sequence; chloroplast

ATTCAGAAATGCGAAAGCCTCTATTATTCTCTATCTCTTAAATGGTTTGTGAAACCCGAGTATTTTTTTCTGT  
GGATTTCTGAATTATAAACACGAAGGTCTTGTGTTTTTGGCACTAATGGAATTGAATTGAATGTCCCAAGGGG  
TGGCACAATG

>trans\_c\_7828 XM\_001690393|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGTTTTGGACTCACTAATTACTAATGCGGCACAGAAGAGAGCGAGGAGGGCCGAAGCCTTCGCCAAACCATT  
GCCTTTGAGGCCTTCCAACAAGCCAAGTGGCTCCTCAAGCTCCAGCGCCAAGTCCAAGTGCGGGCTTCTTTG  
AGAAGAGGAATCA

>trans\_c\_7829 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

GCGACCCAGGTCTTCCTCCGTCTCCAATTCCAAACCATCTCTCTTCTCTCAATTCTTCGCCCCAATTCTCTGAG  
AATTCAAGAGAAGGTCACGGCGAGATGAGCCGTTTATCATCACGATAGGTGTCAAGTGGAAGTGACACGCA  
CGCATGATCA

>trans\_c\_7830 NM\_001049336|Oryza sativa Japonica Group Os01g0295700 (Os01g0295700)  
mRNA, complete cds

AGACAGATGGTTCTTACAGAAGAGGATGAGTTCTTGATCATAGCCTGTGACGGGATATGGGACGTGATGTCA  
AGCCAGCAAGCAGTCAATGTAGTTGACAGGGACTTCAACGCCACGACGACCCTGAGGCTCACATGGAGAGT  
TCCACTTCATGAAT

>trans\_c\_7831 AF039851|Glycine max ferredoxin-dependent glutamate synthase (glu) mRNA,  
partial cds

TGGTAAATCCAATTCAGGAGAAGGTGGTGAGGATCCCATTCGTTGGAGACCACTAGCAGATGTTGTTGATGG  
GTATTCTCCAACATTGCCACATCTTAAAGGCCCTTCAGAATGGTGATACTGCTACTAGTGCTCAATTCATTGTGC  
TCAGTTGCGT

>trans\_c\_7832 AY943114|Peplidium sp. Barker 7267 external transcribed spacer, partial sequence

CAGTTTAAAGTTTGTGTTGATTAATATTGTGTCAAGAGATGTAGTTGTTAGTTGTTGCTTAATGACCTTATAGCA  
TTTGTTGTGTTGTTTTCTATTAAATTTGGTTTGTGATTATCTTTGTTGGGACAGGGGCCCCGATATAAAA  
CAAACAT

>trans\_c\_7833 EU161356|Cathaya argyrophylla 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCAGACTAGGGGAAGGGAAGGGACGCCCT  
CCCTCAATCAAACCTCAAATTTCTGACTGTGAAAGCCCCGAAGATGAACGGGGCTAAGCGATCTGCCGAGAT  
CATCCCTACCTC

>trans\_c\_7834 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

GACACGAGCTGACGACAGCCATGCAGCACCTGTATGAAATTACCATCCTTAACCAAAGCATCTCTGCTAAGTT  
CTCTGGATGTCAAGCCCTGGTAAGGTTCTTCGCTTTCATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGTGCGGG  
CCCCCGTCAT

>trans\_c\_7835 AY527193|Citrullus rehmanii voucher NAM1887\_2 NADH dehydrogenase subunit F  
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

TAGGAAGCCCGTTCACTCAATTCAATCAAGAAGCAATTGATTTGAATATATTAGACAAATGGTTAACTCCGTCT  
ATAAACTTGTTACATGAAAGTTCAAAAGATTCTGAAAATTGGTATGAATTTCTTAAAAATGCAACAAAAAGAC  
AACTATAGC

>trans\_c\_7836 AY138000|Ribes uva-crispa external transcribed spacer, partial sequence; and 18S  
ribosomal RNA gene, partial sequence

GCATGGCTTAATCTTTGAGACAAGCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTATGACCTCTACAATTGGGA  
TAAAAACACCAGCATAGTATAATCAGCGTCGATCATTTGGGGAAAGTATCATCACATCCATCACCTAGTTCCCG  
AGTCCACATC

>trans\_c\_7837 XM\_002863254|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase 49KDa  
protein, mRNA

GATGGAATACATTGTGCAACCCTAATAAATAGCTACTATGTTTACAGAAGCAATAACCGTAAATGGTCCAGAA  
CAGTTGGGAAATATTCAAGTCCCCAAAAGAGCTAGCTATATCAGAGTAATTATGTTGGAGTTGAGTCGTATAG  
CTTCTCATCTG

>trans\_c\_7838 CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

TGGAGGTTACCGTGAGAACGAGTTCAGGGACCGGGAGACTAATTTTCATGTGTCGAGGAGGTCGTTTGGGAG  
TGCTAGGCAAGAGTTTGAAAGAGTTAAGATAAGCAATGGTGATCATGGTGTTTCGGCGGAGTCTAGCGCGGG  
ACGTCAAAGACCCG

>trans\_c\_7839 CP000592|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 12, complete sequence

ATCCGTCACCAGAGGCTAGATCGGAAAGAAACCGCAATCACCGTGCAGATCTTCGATCTACGACCATAAAACA  
ACCGAGAACCGCAGTCAGAAGAGGAACGGAAAAGATAAATCAGACGATGTTGAACTGGTTTGAATCGGAAT  
AAACAACCGCAAC

>trans\_c\_7840 NM\_121549|Arabidopsis thaliana CLPB3 (CASEIN LYTIC PROTEINASE B3); ATP  
binding / ATPase/ nucleoside-triphosphatase/ nucleotide binding / protein binding (CLPB3) mRNA,  
complete cds

GTTTTGAGGTAATTTCCATTTTCAGCTTGGCAGCAGCTTCATCGACAAGGTCAATGGCTTTGTCAGGTAGAAAT  
CGTCCACTAATATATCGGTCTGAAAGAATTGCAGCGGAGCACAGAGCACTGTCGGATATGCGAACTCCATGAT  
GCAACTCATA

>trans\_c\_7841 GQ998646|Plumbago auriculata voucher FLAS:M.J. Moore 306 23S ribosomal RNA  
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TATACCAAAGCCCCAAATGACGACTGAAACGATATCTCGGCCTTCACTATACCTCACTGTTCTTCGCGGCGGAA  
GAGATAATGATCTCAAGCACCGAGGACTATGAGAACAGAGGCTTTGTTGAAGGTCGTTGAGCTTTTCCTGG  
GAGTATGGCAT

>trans\_c\_7842 AJ515535|Antirrhinum hispanicum slf-S1E gene for S locus F-box (SLF)-S1E protein  
and slf-S1 gene for S locus F-box (SLF)-S1 protein

GTGTGGAAGGTGTGTTTGAATGCATAGTCCATTGAATCTTGAACCATCTTAGGCCAATAATAGCCCATTCTTCT  
CAACTGAAATTGAAGCTTTGGTCCCGATTGATGTGCTCCACAGATGCCTGCATGTGCTTCTCTAGAGCTTTTA  
TCGACTCTT

>trans\_c\_7843 NM\_121927|Arabidopsis thaliana APL1 (ADP GLUCOSE PYROPHOSPHORYLASE  
LARGE SUBUNIT 1); glucose-1-phosphate adenyltransferase (APL1) mRNA, complete cds

ACTATCAGATCCTTCTTTACTTCTAAACATTTTGAGATGGCGTTTCCCAACTGCGAATGACTTTGGATCAGAGAT  
AATCCCTTTCTCAGCAAGAGAATTCTTGATGAAGGCATATTTATTTAATGATTATTGGGAAGACATAGGGACTA  
TCAGATCC

>trans\_c\_7844 AY206100|Lactuca serriola genotype 1420 RGC2 resistance protein L gene, partial  
cds

ATCCCGTAATGGTACTGTCAACCGGTGATGGGTCTTCCCCGGCCCCAGAAGTTGACTCGCCAGTCTCCTAATA  
TCATCTCAGACCGAGGTGAACATACATCTTCAGTCAGGAATAGTGATAACGATAATGTTGCATCTTCTTTAGCC  
TCTGGACTT

>trans\_c\_7845 NM\_114447|Arabidopsis thaliana PHOT1 (PHOTOTROPIN 1); FMN binding / blue  
light photoreceptor/ kinase/ protein binding / protein serine/threonine kinase (PHOT1) mRNA,  
complete cds

CAAGGATAAGATGCTACGTCCAATGGATTGCCAGAATCATTGATTTCGTTATGATGCCCCGTCAAAGGAGATG  
GCAACGAGTTCGGTAACGGAGCTTGTGCAGGCGGTGAAAAGGCCTCGGTCTGTAAGTGAACATAGGCCTCG  
GGCTCTAAGTGAA

>trans\_c\_7846 NM\_179290|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related  
(AT1G09160) mRNA, complete cds

GAAAAACAGGAAGAGAGGGGAACGTGTAAGTCAAGTGGTGGTGAGGTTGGGAGGCTCAATGTTTTTGGCGG  
GAATGAGGTTGGTCTCTACGTTGCTGGCCTGGAGGTTTATGCCTTTCTAGGTCCATTGGTGATACGGATGTA  
GCTCTTATATAAC

>trans\_c\_7847 AB491628|Pseudoscourfieldia marina gene for 26S rRNA, partial sequence, strain:  
NIES-1419

AACAGTCTTTAAAAAGGCTCAAATAGGCCTCGAAGTATAAAAAACACTTTGCTGTCTGCCTCCTAACTAAGCACA  
ATATGAAACCTAAATTATGTTACACGGCTACTCAAAGATAGATTTAACAGATGTGCCGCCCCAGCCAACTC  
CCCACCTGA

>trans\_c\_7848 Novel Gene

GGAGAAGAAGAAGAAGGAGAAGAAGAAGAAGGGTGAGCACGGCCACGAACACCACGGCGGAGATAGCAG  
CAGCGATAGCGATAGCGATTGATGGATCAGATCAGCTCGGAATCATTAGCCGGAGAACGAGCCACACCTTAG  
CTATACACACCACACA

>trans\_c\_7849 AL161552|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 52

TGGACAATTCTCCGAGAGAGACGTATAGGCCAGAGCGATTATTAGTATCAACAGAATCCAACAACCAAGAGG  
AGAAAGCAGCCATAGGCAGTGAAAAGCCAAGTGAGAAAACAAGAAAAGATATGATGATTAATTTTGGTGA  
TTAGAAGAAGACCC

>trans\_c\_7850 AY727966|Heliamphora minor 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCACAACGCAGGTGTCCTAAGGGGGACTCATGGAGAACAGAAATCTCCAGTAGAACAAAAGGGTAAAAGTCC  
CCTTGATTTTGATTTTCAGTGTGAATACAAACCATGAAAGTGTGGCCTATCGATCCTTTAGTCCCTCGAAGCCC  
AGAGCTCTCTT

>trans\_c\_7851 AY111631|Zea mays CL3475\_1 mRNA sequence

TCACGTGTTCCGCCGTACTCAGGATACACTCCGGAGGGAGAAAGGTTTCGACTACAGGGCTGTTACCTGCTCT  
GGCTGATCGTTCCAGATCGATTCATCTACCTTCCTCCTTGTAAGTCCAAAGGAGTGTCTACAACCCCAAGAG  
GCAAGCCTCT

>trans\_c\_7852 DQ862827|Triticum monococcum serine hydroxymethyltransferase mRNA,  
complete cds

CAGTGGACAGAAAGACCCTATGAAGCTTCACTGTTCCCTGGGATTGGCTTTTTTAAAAAGGACGCGCTAAAC  
CTCAGATAGAATTATGGCACTTGATCTTCCTCATGGTGGACATCTCTCATGGTTACCAGACTGATACCATTT  
TCTAGAGTG

>trans\_c\_7853 AB219626|Gentiana algida chloroplast trnL(UAA), trnF(GAA) genes for tRNA-Leu,  
tRNA-Phe, partial and complete sequence, trnT-trnL spacer region, trnL-trnF spacer region,  
specimen\_voucher: MAK:K. Senni S3466

GCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGGGGATAGAGGGACTTGAACCCTCACGACTTTCCCCACTAGTAATAAA  
ATTCAGCGTAGCGTCTACCGATTCGCCATATCCCCCTCTAAGGGAATCCAAATACATTACCCACAATGGAAGT  
AAACATGTTTG

>trans\_c\_7854 AY060557|Arabidopsis thaliana AT4g39080/F19H22\_180 mRNA, complete cds

AGAACTGGTTGAGATAAATGCTAATAGTGAGAAGCTACAACGTTCTACAATGAACTTTTGGAGTATAAGCTT  
GTTCTGCAGAAGGCTGGAGAGTTTTTCACTGCAGCGCAAAGCAGTGCTGTAGAGCAGCAAAGGGAGTTCGAA  
TCACGACGAACT

>trans\_c\_7855 XM\_002320913|Populus trichocarpa s-adenosylmethionine synthetase 4 (AdoMet4), mRNA

TCAAACCTGGCAGTGTCTGCAAGCAAATGACAATGGTGCTATGGTCCCTGTTGAGTCCACACAGTGCTCAT  
CTCCACCCAGCATGATGAAACTGTCACGAACGATGAGATTGCAGCTGATCTTAAGGAGCATGTCATCAAGCCT  
GTAGTCCCTGA

>trans\_c\_7856 AY968438|Lagenaria breviflora ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds; plastid

GCCACTCGGGTGATGAAATTAAGGACAAAGTTTTATCTATTATTTGTATCTAACTGTATAAAAGCAGGGGCG  
GATCTATGAATAGGAGATGTTGTGCGAGTATCTACAGGACCCAAATTATCAATAGGCTCTCCAAGCACGTTGA  
AAATTCGGCCG

>trans\_c\_7857 FJ590953|Dimocarpus longan cell division cycle protein gene, complete cds

CCAGTCTGCACCTTGTGTTCTGTTCTTTGACGAGCTTGACTCTATTGCCACTCAGAGAGGCAGCAGCGTGCGA  
GATGCTGGAGGTGCTGCTGATCGAGTTTTGAACCAACTTCTGACGGAAATGGATGGAATGTCAGCAAAGAAA  
ACTGAGAAATAT

>trans\_c\_7858 Novel Gene

CAAGATTAAGTATGAGGGTCCCACTAGCAAAAATCCATTGGCATATAAATGGTACAATGCGGACGAGGAAAT  
TCTTGGGAAGAAAATGAAGGACTGGATGAGATTCAAGTGTTCATATTGGCATACATTCCGTGGGACTGGAGC  
AGACCCATGGTG

>trans\_c\_7859 AP009370|Barbarea verna chloroplast DNA, complete sequence

AAGAAATGTAAAGAACGAGAGTTGTTGAACTAGCATATTGGAAGATCAATCGGAAGGACGAGTTAGGCGT  
GGAGGACGTGCTACGGACTCACGAATGACTCTATGAAATTACGTCGATACTTCCACATATTACGGGTAACGTA  
GGAGACATCTCT

>trans\_c\_7860 GQ998311|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit K protein (ndhK) gene, complete cds; chloroplast

TCGGTGTTTTACTACCAAAGTGTTTAAAGTACACACGCCCAAGTACTAATACTGGAAATTACGATCAAGGATTA  
CTCTATCAACCATCATCTACTTCAGAGAAGTCTCCTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAA  
AGATTAA

>trans\_c\_7861 AJ278624|Cuscuta odorata chloroplast tRNA-Val(GAC) gene and 16S rRNA gene

CCGGCTCTGAAAAGCCGATCGTAGTCCGGATTGGAGTCTGCAACTCGACTCCATGAAGTCGGAATCGCTAGTA  
ATCGTAGATCAGCATACGGCGGTGAATTCGTTCCCGGGCCTTGACACACCGCCCGTCACACTATGGGAGCTG  
GCCATGCCCG

>trans\_c\_7862 AJ307662|Oryza sativa genomic DNA fragment, chromosome 2

TAAAGGTTTCGGCCACATGATATTAAATTTATTTTCTAGGGGGAGGGCCCATCACAATAGCTTGCTATTGGG  
GCTTTCGAGCGTCGCCCTTGCCTTGCACTACTGCTTGGGCCTGGCGCACCCCTCTATCCGTTAAAAAAGCCCAA  
ATCTATCC

>trans\_c\_7863 GU270834|Vitis vinifera cultivar Cabernet Sauvignon WRKY transcription factor 4 mRNA, complete cds

TCACCAGAGAATTCATTTTCATGTAGGGGGAACCTTTCTATTCGTTGAGGACAAAGATCTCTGACTCGACATAGT  
GGTTTGCTTCATAATATATCAGTGCTGTGTTAATAATTCATATCATTTGGTGAAAGATGTTCCCTCAAGGGGCG  
CTCACAGGG

>trans\_c\_7864 AF078680|Olea europaea calcium-binding protein (PCA23) mRNA, complete cds

TAACCAGATTCCCACTCACAATCCGACGCCGACCAAATCGCCAAGCAGAAGCCATCCGTTTTACTCGAGGAC  
GACGACGAACTCCGCAAGGTTTTCGAACGCTTCGATGCGAATGGCGACGGTAATCGAGAGCGATGGCTCGAG  
CGCATTACTTC

>trans\_c\_7865 EU262259|Solanum nigrum leucine aminopeptidase mRNA, partial cds

TGATTGGACTGTAATGGAACACAACACCCTGTTTACAAGTATAAACCAAAGCATCAGCGAGAGTAAGTCTGCC  
TTCAGCATCTGTGTTATTAACCTCAATCGTCTTTCCATTTGAAGCAGTGATAATATCCCCAGGTCTCATGCCAGT  
TCCACTTA

>trans\_c\_7866 Novel Gene

AACACCTTACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCACCACCTGTGTCCGCGTTCCATCCCGTTAAGGACAGGTT  
TTCTTGTTTCATATGTCAAGGGCTGGTAAGGTTTTGCGCGTAGTATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGT  
GCAGGCCCC

>trans\_c\_7867 AF274664|Rhodoleia championii 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GATGTGCCGCCCCAGCCAACTCCCCACCTGACAATGTCTTCCGCCCCGATCGGCCCCACCGAAGTGGGCCTTT  
ACAGGTTTTTCTAAATGACATAAATATTCCGTTTCACGGAATAAGTAAATAACGTTAAAAGTAGTGGTATTT  
CACTTTCGG

>trans\_c\_7868 XM\_002873435|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CBS domain-containing protein, mRNA

AAACCCAGCGGGCGTACTGAGGAGAACAACTTATCACTGTGACACCTGACACCAAGGTCTTGCGGGCTATG  
CAACTTATGACTGACAACAGAATCAGGCACATACCCGTCATTGATGACAAGGGCATGAAAGGCATGGTGTCA  
ATCGGGAGCACC

>trans\_c\_7869 EF672637|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 11 (FLA11) mRNA, complete cds

ATCAACCGCCGTCTTACCATTACTGTCCTCGCCTTAGACAACCTCTGCCATGTCCGCTCTCCTCGACAAGCATTTT  
TCCGTTGGCACTATCAAGAATGTGCTCTCCCTTCATGTTCTTGTTGATTACTACGGCGCTTATTTTCGGACCCAG  
TTGGAC

>trans\_c\_7870 U37840|Lycopersicon esculentum lipoxygenase (loxD) mRNA, complete cds

TAAATTACATAGCAGAATTTTTACTGACCTCGGACTTTGGAGAGCCTGGAGCCATCACAATTACCAACAAGCAT  
CAACAGGAATTCTTCTTGAGACTATCACAATCGAGCATAAACATTTACTAGGATAAGTAAAAGGGACGTAA  
GGACCCAAG

>trans\_c\_7871 AL161581|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 77

GCCCCGGGTACCCATTTTGCAAACGTCGTAGATACAATCGGAATCAAAATAACAAAAGAAATGAAATTAGAT  
GACGTAATCAAAATATTGCAATAAAAAAACTTCTTATATCACTTACACAAAAGTAATTTTCGTTAGCATCCGC  
AGGGACCATC

>trans\_c\_7872 DQ673259|Jasminum subhumile psaA-psbB fragment, chloroplast

AGTTTTCATAGTTTGATGGTATACTAATGAATTATTCTTGATCCCGTTCGTCAAAGATCTCTATTCTTAGTTTCAA  
TTTTTCCCGGTTTATCAGAACCTTTTTTTTCGATTTATTACATAAGTAGTGAACAAATTCATACCCAAAAATGGCC  
AGCGG

>trans\_c\_7873 AJ580604|Bobartia gladiata chloroplast partial matK gene for maturase K, 5' region

TACGGGACCGAAGAAAAGTTGTTCCAAAGAAACCTGTTGATGTTGTTTCAAAGAGAATATGAAAACATCTAC  
CAATTTAAACAGAACCGATTCCATTGTCAACCGAGGTTTGAAGGTCAATCATGTACAATTAACGCCCCGGTCCA  
GGGTAAAGA

>trans\_c\_7874 Novel Gene

GATTAGCAACAAAGGTCTATGCCAACGGCCAATTGTAGAGAAGATTATCGTCGATACGAGAAGCAAATTGTT  
GTGTGAAGGAATCAATATCTCGACATAAGCCAAGAGGCAGATCTTGCCACTCCACCTGGTCGTATGAAACT  
GGCATGCATCC

>trans\_c\_7875 AP010819|Ephedra equisetina chloroplast DNA, complete sequence

CTCGCCTGCATGAAGCCGGAATCGCTAGTAATCGCCGGTCAGCCATACGGCGGTGATAAGCAAGGGCCCCGA  
ACATGTGTGGCGGGCAGTGTGATACCCTCGACCGGTACGGGCTTCAGCAATGGAATTGGCGTGAAGAAAAA  
GCATTAGGAATAG

>trans\_c\_7876 XM\_002958837|Volvox carteri f. nagariensis eukaryotic initiation factor, mRNA

CGCGTTCTAATTACTACTGATGTTTGGGCACGAGGGCTTGATGTTTCAGCAGGTATCACTTGTGATAAATTATGA  
CCTTCCAAACAATCGAGAACTTTACATTCACAGGATAGGAAGGTCGGGTTCGGTTTGGGCGCAAGGGTGTTC  
TATTAAAGG

>trans\_c\_7877 AB043540|Avicennia marina mRNA for betaine aldehyde dehydrogenase, complete cds

TCTGGAATTTTGAATGTTCTGACAGGATATGGGGCTGAAGCTGGTGCTCCTCTAGCATCTCATCCTCATGTTGA  
CAAGATTGCATTCACTGGGAGTGGTGCTACTGGAAGCAAGATTATGGCATCAGCTGCCCACAGGTGACCTAA  
GTGGCAACAC

>trans\_c\_7878 EF207444|Daphniphyllum sp. 205-82 inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

TAAGTGGAACGCATTAGCTGTCCGCTCTCCGTTGGGCAGTAAGGGTCGGAGAAGGGCAATCACTCATTCTTA  
AAACCAGCATTCTTAAGACCAGAGAGATAAAGAAGGAGTTCCCTTTCTCTTACCTTCAACCTCTTCACGAT  
CAAGCCAGA

>trans\_c\_7879 AM886168|Vitis thunbergii mRNA for DNA-binding protein (wrky7 gene)

GAGAATTCCTCGATTTCATCGGCGACGACGACTTCGATCGGAGCTCTCAAAGAGCAAATCCGGAGGGGAC  
GATTTTGATGAGGAAGAACCAGAGGCTAAGAGATGGCGAAGGGAAGGTGACAACAATGAATGTAAACCAAA  
ATCCAAACCCCA

>trans\_c\_7880 XM\_002316491|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 21 (CPK21), mRNA

AGGGAGATTCACATTATGCAGCATTTGAGTGGGCAACCTAACATAGTTGAGTTCAAGGGAGCTTATGAAGAC  
AAGCAATCGGTTTCATTTGATCATGGAGCTTTGTGCTGGTGGCGAGTTGTTTGATAGAATTATTGCTAAGGGTC  
ATTACAGTGAG

>trans\_c\_7881 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAACAGGGACAGTCGGGGGCATTCGTATTTCTGTGCCGGCCGGGGGACGGACTGGGAACGGCTCCTTTGGGG  
GCCTTCCCCGGGGCAGCTCCTTTGGGGGCCTTCCCCGGGCGTCGAACAGTCAACTCAGAACTGACGTAGACAA  
GGGAATCCGAC

>trans\_c\_7882 AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

CATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAAGTGCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGAGACTCACCCGAGATG  
TAGCAAGAGCGTGAGGTTTCGAGTCCTCTCAAGGCACCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAG  
TGCAGAATTGG

>trans\_c\_7883 AB097412|Triticum aestivum Wcor18 mRNA for cold regulated protein, complete cds

TAACATCTCTCTCTCTCTCTATCCTTTATCATATCCCTCTTTTTGAAACAGAGTCTTTGTAAATTGAACTTC  
TGGAGTAGTTCTCTGTATGATTTTTTTTAAAGTAAAGGGAGTTATGGGCTGTCACATCGAACTCCGTGAGA  
AATCC

>trans\_c\_7884 EU373074|Gossypium hirsutum gland development related protein 84-like mRNA, complete sequence

AGAATAGGGGAGACGAGCAAGATCTTTTCCTCTGTAACAAAGAGGAGCTAAATCCGAGCATAGAAGTTCCAA  
TGTCAAAATCAAGAACGATATCCTCCATTTGATACCCTCCCAAAACGATGGCGTTTCTCGGCTTCAATCCACCA  
TCAACAAACC

>trans\_c\_7885 XM\_002879972|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 50S ribosomal protein L3, mRNA

AGGAAAGCAACCGGGGCGTGTTTACAAGGGAAAGAAGATGCCTGGAAGGATGGGAGGAACCAAGAGAAAAG  
ATCAGAAAACTCAAGATTGTAAAGATCGATGAAGACCTAATGTTGTGATGATCAAAAAAGCCGTCCCAGGTA  
AACCAGGAAACCT

>trans\_c\_7886 AY727954|Pentaptychax euryoides 26S ribosomal RNA gene, partial sequence



GCGCTCGCTTGGCCCTTCTCGGGTCGAACTCTTTCTAATATGGGAGCCCGTCCGAATTGTAGTCTGGAGAAGC  
GTCCTCAGCGGCGGACCGGGCACAAGTCCCCTGGAAGGGGGCGCCCGCTCTGACTTAAATACGCGACAGGGT  
ATTTGTTACC

>trans\_c\_7887 DQ629361|Platanus occidentalis large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

TGAAGGCGAGAGGAGCCCCCTTAAAAAATTTTCGCCATCAGTGAGATACCACTCTGGAAGAGCTAGAAT  
TCTAACCTTGTGTCAGGACCTACGGGCCAAGGGACAGTCTCAGGTAGACAGTTTCTATGGGGCGTAGGCCTCC  
CAAAAGGTAA

>trans\_c\_7888 NM\_119927|Arabidopsis thaliana ACA2 (CALCIUM ATPASE 2); calcium ion  
transmembrane transporter/ calcium-transporting ATPase/ calmodulin binding (ACA2) mRNA,  
complete cds

ACGTATAGCCACAAGCGGGAATCGGACTTTCAGGGTTATACCCGCCTTCAATGTCCATGTAAGCCAGGCACAA  
AGTTCGAAGAGCTTCGCCCGCAAATTCTTCGATGGTTTCCTCAAAAAGTTGATGGACTCTTCATTGAGAGGG  
ACTGCCTCA

>trans\_c\_7889 NM\_001061832|Oryza sativa Japonica Group Os05g0357600 (Os05g0357600)  
mRNA, complete cds

AGCTTCAAACAAGCACTCCACTCCACTCCAGATTAACTTATCATCACATGCTGTAATTATGTCTTTAAAGGAGCC  
TTCTTTTCTCTGTCGGATATTCGAGCTGGACCAGTTGTATGCGACTTGAAACGACCTCTTCCTCCCTCTTCCTTT  
CCTT

>trans\_c\_7890 Novel Gene

ATACGCACCTAGGCTTTTTGGTAAGTAAGGAAAGTCCTAGTCAGCGCCAGAATGTTTGAGATGGCTATCATAC  
CTGCTTAGACAATGAAGTATCTTTACACATTTTCTCATCGATTATGTCCGGGAGCCGAGTACTCTACCATTGAG  
TTAGCAAC

>trans\_c\_7891 FJ559391|Tetraselmis sp. KMMCC P-20 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGGAGGCGTAGTGGAAGGGTTTAGAGAACTTATCAGCACATATCATCA  
GAGTGGTGCATGACAATCTCATAAGCTCATCACTGCCATTCTCTTTCCAAGAATTCACCTCTGACTATGAAAT  
ACGAATGC

>trans\_c\_7892 DQ414725|Cucumis sativus cultivar guonong25 raffinose synthase mRNA, complete  
cds

CATTGCAAGTATGGAACATTGTAACGACTTCATGTTCTCGGCACGGAAGCTATCTCTTGGTCGTGTTGGTG  
ATGACTTTTGGTGCACGGACCCATCCGGTGATCCCAACGGTACATTTTGGCTCCCCTTCGTGACGCGTTTTCAT  
TGTGCCT

>trans\_c\_7893 GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

AGGCTGAAACTTAAAGGAATTAGGTACGAGTACTTTGATCTCTTTGATTTTCTTTCTTTATCTAAATCTTGTT  
ATATTTTCTTTCTTTTCTTGTCTAGTTTTGTTGTTGTTGAGTGGATTGGAGAGGTGCACCTACCCACACATG  
TTTG

>trans\_c\_7894 EU483139|*Oenothera grandiflora* cultivar bellamy A chloroplast photosystem II subunit X (psbX) gene, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CAAGTGC GGGCTTCTTTGAAGGAGAAGGCTGTTGCTGGACTGGCTGCAACGGCACTCACAGCTTCCATGGTCC  
TTCCTGAGGTGGCTGAAGCTGCTGGCCCTGGCGTTAGTCCCTCTCTCTTCTTAAAGAACGAGTCGTAACGACTC  
ACAAGAC

>trans\_c\_7895 NR\_023067|*Arabidopsis thaliana* (AT4G39366) ncRNA

AGATATAAAAGCTTGTAAGAGATTCCTTCCTATTTTGTCTAGCTCTCAAGCCTGGCGAAGGCGAAAGCTCT  
CAGGCGGCCACTGCGAATGTTCTGAGAAACAAGCCTTAAGAGCATCATCATTGTTCTGCAAAGGATTCTACCA  
ATCGCTCG

>trans\_c\_7896 AB027000|*Solanum tuberosum* PCAS-1 mRNA for beta-cyanoalanine synthase, complete cds

TGTTAAGCAAGAAATGATGCAGCCTACTTCCAGCATCAAAGACAGACCGGCCTTCGCGATGATCAACGATGCT  
GAAAAGAAAGGCCTGATTACTCCTGGACAGACGACTTTAATTGAGCCAACGTCGGAATATACCCGTAGTCAT  
ACCGCGGGC

>trans\_c\_7897 Z25860|*Flaveria pringlei* mRNA for glycine hydroxymethyltransferase

TGGAGCCATGATTTTTTTAGGAAAGGAGTGAAAGAGATAAACAAACAAGGGCGGGAGGTGTTATATGACTAC  
GAGGACAAAATCAACCAGGCTGTCTTTCTGGTCTACAAGGTGGTCCGCACAACCACACACGGCAGTTGGGCT  
ACTGGTACAC

>trans\_c\_7898 AY110220|*Zea mays* CL3641\_1 mRNA sequence

CTCTATTGGCCACAATCCCAGCAACCATATGATGCTGAGACATTAGACTACATAAATTCCTGGATGCGGAGG  
AAGACATTGCCCTTCTCAAGTTCCATGGATGGGACCTGCCTCTGGAGTGTGCACACGTCTCCTATGCCCTGGTT  
GCATCCCC

>trans\_c\_7899 EU002490|*Coriaria nepalensis* RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds; chloroplast

CCTAACGAATTCCTAATTGAAATTAGAGGATCCTTTTTACTTGATTCTTTTATGACATTATAATCTTTTACATCGT  
TGAATAGATCCATTTGCAAACAATTCGATGCTGACAAAATTATCAAAGATTGGCGTTCCTTATTTCTATTGAAC  
AACGT

>trans\_c\_7900 AY083613|*Pisum sativum* translation elongation factor (tufA) gene, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TGTATGTGTTGAAGAAGGAAGAGGGTGGTAGACATTCACCCTTTTTCGCTGGTTACAGACCACAATTCTATAT  
GAGGACGACTGATGTCACTGGCAAGGTGTCTTCGATTATGAACGACAAGGACGAGGAGTCGAGGGCAACCG  
CATTGAAGAGT

>trans\_c\_7901 AM396273|*Spruceanthus thozetianus* chloroplast psbA gene for photosystem II 32 kDa protein, specimen voucher Pocs 01107/M (GOET)

ATGCCCTCCTTCGAGACGAGTGGCCTGTAGTAGGTATCTGGTTCACCGCTTTAGGTATTAGCACTATGGCTTTA  
GTCACGGATTCCCAATGATAATCCATGATATTACAACCAGCTACTTCTGATCACGCTGTAACCTAGGGGCGCG  
AGACAACT

>trans\_c\_7902 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

CGTCACACCCTGGGAATGGGTTTCGCCC GAAGCATCGGACCAATGATCACCCATGACTTCCGTGTACCACTAG  
TGCCACAAAGGCTTTTGGTGGTCTTATTGGCGCATACCACGGTGGGGTCTTCGACTGGGGTGAAGTCGTATGT  
TCGTGACAG

>trans\_c\_7903 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)  
gene, partial sequence; chloroplast

CTTATGGATCCCCGCGCTCTGTTGAGAGAGATTCTTGAGCCGTCCCCGCTTAAAGGTGTATGAAGTTTCATAT  
TTTATTCTTTAAGCAGAAGCAGGACGATAGAGATTCCATTAACTTAAGTTGATCTAGGTCAGAAGCATACCTA  
CGTCAGG

>trans\_c\_7904 AJ236706|Humulus lupulus H17SL-1 gene for signal recognition particle

AGTCCCCTGGGGGAAAAGTGGTTGTCGGGCTGAGAACAAACCCACTGTGTAATGTTAGACCCACCAAGAACCG  
GCCCCGTTATCCTTCCACCGCTGAGAGTGGGTGGTAACGCTGCTCTGTGAATCCAGCCTCACGCGGTGCCACCC  
ACTCTTACGA

>trans\_c\_7905 NM\_001050271|Oryza sativa Japonica Group Os01g0652100 (Os01g0652100)  
mRNA, complete cds

AGATTCATTGAGCTTAAACCAATGGGAATCATTGGCTTGTATGATTCATGCTTCCGTTTCTAATTCCAAGACCTC  
GTTTGTTAGAAGAGAGGGTCTTTCTTCTGTTACTTTTCAGGATTACGGAGTAGAGCTATGGCTATACAGAACCC  
CGTACC

>trans\_c\_7906 XM\_002877728|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata photosystem II subunit O-2 (PSBO-  
2), mRNA

TAACCAGGAGGGACAGTGACCTTTCAGGGAGAGTGAGCAAGAACTCCCCACCAGAATTCCAAAACACCAAGC  
TCATGACTCGTCTAACTTACACACTAGACGAGATTGAAGGACCCTTTGAAGTTGGTGCTGATGGTTCAAAGTTC  
AAACTCCTC

>trans\_c\_7907 Novel Gene

TTAGAAACGTATTCTTCTTATCTAAGCTTCTTCCCTGTGTATTCGCTCCCCCTGAGTAGATGGTTCAGCCACGCC  
CGGTGCCACAGGGCAGCCAAGAACGTAGACGGGGTCGAAATGCATTTTGTCTTTGTATTCAATAAGTATTGC  
ATGACCA

>trans\_c\_7908 NM\_001058141|Oryza sativa Japonica Group Os03g0803000 (Os03g0803000)  
mRNA, complete cds

CAAGTTGATCGTTTTGGGGATTTTGATAGCATTGATCCTTATCATAGTCCTTTCAGTTTGCCGTGGGTTCAACTG  
TGGTGGAATGAACACTTTCTCAAGGAGGAACCCTCACACTGAAATCTTTGGCATGATGATATTTTGAGAG  
AGATAAG

>trans\_c\_7909 CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

AAACCTACGTAGGTTTCGACTTGCAGTCTGCTCGGAGTTCCGTA CTACCTTCCACAGCCACACACGCACTCT  
TAGCGGCTGCCGACTCATTCTCTCTCAGCTGCGGCAGTCTCGATTATTTCCAAATCAGATGGCGAAGAAGA  
GAAGGGG

>trans\_c\_7910 HM122462|Malus x domestica BZIP domain class transcription factor (BZIP1) mRNA,  
complete cds

ATGGACATCCGGCGATCGACCGAATCTCGACCTCGATTATTACTGGCCAGACTACATGGGTACGTATGAGAGT  
GATTGTTACTATCAGCCTTATGGGGAGTTTGGCAGCGGAATTGGACGACACGCGGTGACCGGAGTTGAAGGA  
GAGAGAGGGA

>trans\_c\_7911 Z68696|P.erumpens 18S rRNA gene

GAATAAGTATCGTGATGGGGATCTCGACGGTACCGGTGGTTGAGGACACGAGGAATTCCTAGTAAGCGCGA  
GTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATCGTGAATGGTCCA  
ACAGGACATT

>trans\_c\_7912 AY277687|Eruca sativa AGAMOUS-like protein EsAG2 mRNA, partial cds

AGTGGAGTCACTAACTGAGATAGTTGATAAAGAAAGTGATAAGAGAAGTACAGAGCCATGTTCTGCGCTTAC  
AAGAATAAATCAAATGGATAATGGCACTAACTCTATCATAGTGGCTAATAACAATGACTCTATTGAGGCAATT  
TGTCCAAAAA

>trans\_c\_7913 CP000592|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 12, complete sequence

TCCAGAGTTCTGCTCTGAGTTGCACTCCCATAAAGAAGAGATAAGGACCTTCTCCACAAATTCTTCTCCTTTGAT  
CCTCTCTGACAGTCTCGCTCCTCTCCTCCTAACCTCAGTCGAGTGGCTTCGCTCCTCTCCTATATTTCGGGAGC  
GCTCA

>trans\_c\_7914 AF302498|Hybrid poplar (Populus trichocarpa x P. deltoides) NADPH-cytochrome  
P450 oxydoreductase isoform 3 mRNA, complete cds

GCTGATGTATCTGGTGGGGACAAGAGATGGGCTTTTGCCAATGGTCATGCTGTTTACGATGCTCAACATCCAT  
GCAGGGCAAATGTGGCAGTGAGAAAGGAGCTTCATACTTCTGCATCAGACAGGTCATGCACCCATCTGGAGT  
TTGTATAAAG

>trans\_c\_7915 CP000589|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 9, complete sequence

TAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGCTCAGTTCAGCGGGGTAGTCGACATGCAAAGACGTTTCACTCATTCA  
AGGAAGAAAGAGAGAAATTA CTCTGCAATCCGGTCTGTTGAGCTTGAATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTAC  
CAATCGCTC

>trans\_c\_7916 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

AGCATCGGACCAATGATCACCCATGACAAAGCGTGTACCACTAGTGCCACAAAGGCTTTTGGTGGTCTTATTG  
GCGCATACCAAGGGGGGTGAGAGCTCTGGGGTGACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTTTACACAGAGTGCA  
GAACACACGT

>trans\_c\_7917 AB014740|Oryza sativa Indica Group gypsy-type retrotransposon RIRE8A DNA, internal region, complete sequence

TGCGTAGATCGATAAGAAAGGCCACAACGCAATACAAAGTGAGCCAGTATAGAAGACTATGCAGTATTGCCT  
GTTGCTGTGTAATCATTATTATCTGATGTCTCCTCGCTCTTCTCCTAGTTTCTTCTATCATATTGGTTCCAATGCT  
GCTCA

>trans\_c\_7918 AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

TGATAATAGGGATACTTCTGCTCGATAGCCAAACGTGAAAATGGGTATTTGGGAAGCTGCTTCCGTTGATGAA  
TGTTTATACAACGGTGGTCCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCATGTTACATGGGTCTG  
AGTCACC

>trans\_c\_7919 CP000600|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 20, complete sequence

CCTTCCATTCCGCCCTTCTACCGCAACCGAAGAGGGAGAAAACAAGAAATTGTGGCGGTAGAAGGGCAGGG  
ACCTCCAGATGCGCACATAAGACTCCCAGAATAGACGGTCGCTCGTTCCAGGACCACTACTCTAGGGAGCGA  
GGGGAAGTTG

>trans\_c\_7920 GQ997952|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 cytochrome f protein (petA) gene, complete cds; chloroplast

ACTAGAAATACCTTTTCTTCGATAAAGGAAGAGATTACTCGATCTATTTCCGTATCACTCATGATATATATAATA  
ACTTGGGCACCCGTTTCAAATGCATATCCCATTTTTGCACAACAGGGTTATGGGGGCCACGAGAAGCAACCG  
GCCGCG

>trans\_c\_7921 AP010819|Ephedra equisetina chloroplast DNA, complete sequence

TTAGGGGCGCGAGACAACTCTCTCTAAGGAACTCGGCAGGGCGATTTTTAACTTCAACCGACAGAATCACTTC  
TATGGTCATAGCGTTTGACCTGATCAAACCCGCGACACACAAAGGTACTCGACTTTTCATTTCAAGGCTCGTAGA  
GTTTTCA

>trans\_c\_7922 GQ998426|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 ribosomal protein S2 (rps2) gene, complete cds; chloroplast

ACGGGGGGACTCAACCGTCTTCCGAAAAGGGATGCCGCTATGTTGAAGAGACAATTATCTCACTTGCAAACAT  
ATCTGGGCGGGATTAAATATATGACGGGGTTACCCGATGTTGTAATAATGCAACATCAACAAGAAGTTTGCAT  
TTAGAGGA

>trans\_c\_7923 NM\_001051683|Oryza sativa Japonica Group Os01g0909200 (Os01g0909200) mRNA, complete cds

TCATGGCTTTTCCAATTTCTTTTATAAGCATCACTGCGATCATGGTCTTTCCAGAACCTGTTTCCAACACAGCTA  
TGGTGTTCCTCCTCATCCCAACTTCAAAGACCTCCATTTGATACCTTCTAGGAATGAAGCCCTCGGCCATGTTGA  
AATT

>trans\_c\_7924 NM\_113640|Arabidopsis thaliana GTE8; DNA binding (GTE8) mRNA, complete cds

GAGGACAGAAAAGAATATTACATACCCGGAGAGATACTATGGAAATAGTTCCTATCGCACTGCTGGTGAATC  
AGAGGGTTCCGGCAGCTCGGGAAGAATTGACCCTGAGATTGCTGCCTCGGAAGTGTCTAGCACGAATCGTCT  
TAGATGTGTC

>trans\_c\_7925 EU161362|*Illicium verum* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AATCTACTTTTCAGATTAACATCATGCGATAGGGCCAAGATACTTTGATTTTTTACGTTTTTCGCAAACATTATCATG  
GATTACGTACAGCGTATATAGCTTTATTTGAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTAAATT  
GTTTC

>trans\_c\_7926 FJ959073|*Solanum lycopersicum* chloroplast sedoheptulose-1,7-bisphosphatase  
(SBPase) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GAGTCTAAAAGCGAGTTCACTATTTGGGGAGTCATTAAGGCAATTTCCCAAGTCATCGGTGAAGGTGGCATCA  
AGGCCAAAGAGCGTTCCTCAAACTAGATGTGAGATTGGTGATAGTCTGGAAGAGTTTCTCACCACTACC  
AAAAGTCG

>trans\_c\_7927 GQ998095|*Cornus florida* voucher FLAS:M.J. Moore 328 cytochrome b6 protein  
(petB) gene, complete cds; chloroplast

TGTCGACTCTTATAGAGCCACTCAAAACGAGTCCAGGTCGACAAAAGTCAAACAGGAGCCCCCTAATGATCAAT  
ATAACTATGAATGAGCCGACTTGATATTTGGGCATTATACTACAAAGAAGACTTTTCGGAAGGGGCGGAGG  
CTACGCTCC

>trans\_c\_7928 AF338444|*Avicennia marina* glutamine synthetase mRNA, complete cds

TGTAAGCGATCCTTCTAAGCTTCCCAAATGGAATTATGATGGATCTAGTACAGGGGGGGCCCCAGGAGAAGA  
CAGTGAAGTGATCCTTTACCCACAAGCAATTTTATAGGGACCCATTCAGAGAGAATGGTGCGCGAGAACGATAT  
CACAGACGA

>trans\_c\_7929 AF128442|*Lolium perenne* pollen allergen Lol p VA precursor, mRNA, complete cds

CCAGGTTGAATGATTATTTGGTGGGATCCACAGATGTAGTGGCTGGTGAACCCCTTTTCTTCTCCACGAAGA  
TTCAGACAAAACCGAGCTTGGATGGAAGTGAACAAGATTGGCAAAGGAATCAAAAAGTCAAAAATCCAGCC  
GCCAGAAA

>trans\_c\_7930 NM\_129478|*Arabidopsis thaliana* MLO12 (MILDEW RESISTANCE LOCUS O 12);  
calmodulin binding (MLO12) mRNA, complete cds

CGCTAAGAGGGGGCCAACTCGCTTTCGTGTCGGCATATGGAATCCATCAGCTCCATATTTTCATCTTCGTCTTGG  
CTGTCTTCATGTCCTATATTGCATCATCACTTTGGCTTTCGGCAGAACAAAGATGAGCAAATGGAAGGCCTGG  
GAGGAT

>trans\_c\_7931 DQ673258|*Jasminum abyssinicum* psaA-psbB fragment, chloroplast

ATTTCCAATGAGATCATAAAATACGAAGATTGCAAAGAATCCAGCGGAATGCTTAAATGGAGTTCTCTGGAG  
AATGAACTCCGAGAAGGTAGAGTAGAAATTAGTATGATAAAATATGATAAAGTGGTCAAATGCCGTATATA  
CAAGTGTTT

>trans\_c\_7932 AY952400|*Halophila ovalis* 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGAATAAAGTAGCACTACCCCTATCTAGTAACGTTAACAACCAGAAGTGTAGAAGGCCTTCGACGGGCGCGA  
GTCATCAGCTCGCGTTGACTACGTCCCTGCCCTTTGTACACACATAAATGATAGAAGCAATCGTGAATGGTCCG  
GTGCCTGT

>trans\_c\_7933 AB207878|Camellia salicifolia chloroplast rbcL, accD genes for ribulose-1,5-  
bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit, acetyl CoA carboxylase beta subunit, partial cds

AGAACGTGAATGGGATCCAAAGAGACCATGTCTTCATCCATAGGGTCCCAAGTACCTGGATCAATCAAAAGTT  
CGATTCTATCTGAACTACTCATTTTCAAATGGTATCCACATTGTTGACAAATATTCATTTTTGATTAAAAATTTT  
CTTAT

>trans\_c\_7934 AB587096|Coptis japonica CjACT1 mRNA for actin, partial cds

CAAATCATGTTTGAGACATTCAATGTGCCTGCTATGTATGTTGCCATCCAGGCCGTTCTACTGTATGCTAG  
TGGTCGTACAACAGGTATTGTGCTCGACTCTGGTGATGGTGTTAGTCATACTGTGCCAATCTATGAGGGTTAT  
GCTCTTG

>trans\_c\_7935 HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)  
mRNA, complete cds

ACGGATCTGCTGATGTGCTGATTGCATCGACGCCTACGGGAGAAAACCTGTCGATTTGATTGTTTCAGCTTGCAG  
GATGGTGTTGAATACGGGAAGAAAGGCTATGGAGATGTTGTTGAGAGGAGATGGTATGGCTGTTTCAGGAC  
ATTGTGTTTC

>trans\_c\_7936 XM\_002311679|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

TTGAAGAACGAACCTGAATACCGTACTTTGTCATACGATCCAAATGCAACTCCAGGTTTCAGAATGGAAAACCT  
CAGACATTAAACCATCTGGCTTGTGCTTGTGCAGTGTGACCATCAAGGTTTGACAATCCTCAAAGTGGGGGTC  
TCACTTTC

>trans\_c\_7937 NM\_179594|Arabidopsis thaliana WOL (WOODEN LEG); cytokinin receptor/  
osmosensor/ phosphoprotein phosphatase/ protein histidine kinase (WOL) mRNA, complete cds

ACAACATGGATTAGAGATATCAATCATATCAGTAACATCCAACCTCTATACGAACTATCACACTAACTCTAGATA  
TGGAGAATGTTTTGTTATCGGAGACATCCATAAGAATCTTCATCCTGATGAGTTTTCATTTAAATGGGTCTGA  
TGCATA

>trans\_c\_7938 GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal  
RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

CCCCCTGGGATTGGCTTTGGGCCTTCCTGCGCAGCTTAGGTGGAAGGCGAGAGGAATTTTTTCCGGGGGG  
GCCCCAGCCATCAGTGAGATACCACTCTGGAAGAGCTAGAATTCTAACCTTGTGTCAGGACCTGTAAATTGGA  
AAGTGA CTC

>trans\_c\_7939 GU983663|Malus x domestica ADP glucose pyrophosphorylase small subunit 1-like  
protein mRNA, complete cds

AAGAACTCTCAGACTTGCCTCGATCCCGATGCTAGCCGGAGTGTGCTTGGGATTATTCTGGGCGGTGGTGCTG  
GAACTCGGCTCTATCCGCTTACTAAGAAACGAGCGAAGCCTGCTGTTCTTGGAGCGAACTATAGGTTGAT  
TGATATTC

>trans\_c\_7940 AF008956|Marah macrocarpus 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

CATATAATAAGTTGTTGCAGTTAAAAAGCTCGTAGTTGGACCTTGTTGGTGGTCACGATGTCCGACTATGGT  
GAGCACCGGTCGGCTCGTCCCTTCTGCCGGCGATGCGCTCCTGGCCTTAAGTGGCCGGGTCGTGCCCTCAACA  
CCACATGG

>trans\_c\_7941 AY093801|Arabidopsis thaliana At2g44500/F4I1.31 mRNA, complete cds

CCTTTTTTTAGACTCCTCGCTTCCTGAAGCAGAGTTTAACAAGATCATCAGGGAGCTGCATCAGGACTCCCTCG  
GACAGCCCGAAGTTCGAACCAGCAAAGTCGGACGAGATGTTACCAAGTACCCTATTCTGAACACATGTGCAA  
CAACATC

>trans\_c\_7942 NM\_001048703|Oryza sativa Japonica Group Os01g0175000 (Os01g0175000)  
mRNA, partial cds

CCCGCGCTTCATAACACAACACAACATAGTAGAATCCAACAGAAAATAAGAATACTGCCACCATGTTGTTGAC  
TATTTAATTAATAACGAATTCAAATAATGAACCCCTCCCCTACTCACTATACATTACGCTTACTACGCCCTTCCTC  
GTCTC

>trans\_c\_7943 NM\_001050746|Oryza sativa Japonica Group Os01g0742200 (Os01g0742200)  
mRNA, complete cds

CTCCCTTGTAACTTTTCAAGGATTCATCAGACATCTCATAGTAGAGGGAGATTCCAGTAGATTTAATGGTGATA  
CCACGCTCTGCCTCATCTTGACGAGTATCTGTCATTCGTACATCACCAGCAACTTCTTGCAATGATACCGGC  
AGCAGC

>trans\_c\_7944 XM\_002870379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ethylene-dependent gravitropism-  
deficient and yellow-green 1 (EGY1), mRNA

GGAAGTAGGAATTGCATCTCAGATCAATCGTCTTCTCCAGAGGTAGTGAAATACTTCACAGATCCCAATGCT  
GTCGAACCAACAGATATGGAGCTGCTATTTCCATTTGTAGATTCTGCTCTGCCTTTAGCATATGGTGTGTTGGG  
TGTTTTG

>trans\_c\_7945 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,  
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

AACACACCAAGACCGGGGGAGGGGATGCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGAGACTCAAAATCTCGTG  
CTACCGAGCGTGGAGGTTTCGAGTCCTCTTCAAGGCACCAATGCGCTCCTGGCCTTTGACTAATTTGATGTAA  
GAATTATAG

>trans\_c\_7946 FJ424416|Peperomia andina var. pseudoperuviana 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2,  
complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGCAACGGATATCTCGGCTCTCGAAGGGCTATAGCTCAGTTGGTAGAGCACCTCGTTTACACGCGCGCGCCG  
TGTAACCTAGCGGGCGAGTTCTATCGGGTAAAGCCAATGATTAGAGGCATCGGGGGCGCAACGCCCTCGACC  
TATTCTCA

>trans\_c\_7947 NM\_001067041|Oryza sativa Japonica Group Os07g0656700 (Os07g0656700)  
mRNA, partial cds



CATACACATACATAAGAGAACATAAAGAGTATAAAACAAAACAGATAGAGGCTTCATCTGATAAAATTTCAAAGC  
TCTGTATTCTCTATTCTGGCCTGTGTAGATTATGTAGGATGTATAAAGAAGCCGAAGACAAGAAAATGCAAACA  
GAATAGC

>trans\_c\_7948 HM466976|Nicotiana tabacum MYC2c transcription factor mRNA, complete cds

TCTGCCGCTGGACCGGACGATGCGGTGGATGAGGAGGTTACGGATACAGAGTGGTTCTTTTTGGTTTCGATG  
ACTCAGTCGTTTGTTAATGGTGTGGGTACCGAGTCAGGCGTTTTACCACTCGACGCCGATTGGGTCTCTGG  
TGCCCTA

>trans\_c\_7949 FJ594491|Gossypium hirsutum alpha-tubulin 6 mRNA, complete cds

CAATGAGAGAGTGCATTTCCGTTACATTGGTCAGGCCGGTATTTCAGGTCGGCAATGCCTGCTGGGAACTTTA  
CTGCTTGGAGCATGGCATTACGCCGATGGACAGATGCCTAGTGACAAGACAGTGGGTGGGGGCGACGACG  
TTCCGTTGT

>trans\_c\_7950 HQ323264|Vitis vinifera hexose transporter (HT5) gene, complete cds

GAAGCAATTATAGATTTGCAGAGGAGGTTCTAATTGAGTTGTCTACCCTGGCTTATGGAAAGTTTTTGTGCT  
TATTTATCTAGAAGACACTGATGTTTTGACTCTGTTATTTACGTTTAATTTCTTTTTGAATGAGATTGAGAG  
CTAC

>trans\_c\_7951 AF017159|Hemsleya heterosperma 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGGGGATGGAGGAAATAGTGACCTTACATGGTCCTCTGTCCATCGACTCACGTTCTATTTAAATGTGCCTCG  
ACAAATTGCAGTGACGCCCGCAAAGTGATATATATTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGG  
GAATTAA

>trans\_c\_7952 DQ341399|Glycine max DMI3 protein mRNA, partial cds

GTGTTAACCACACCCATGTGACGGGGGATTATAGATCCAATCCTTTACTAGATATGGAGCGAACGCGTTATGT  
TCGTATATTACGGGAGTTAACGTCACAAAGTAATTATAGTCGATGTCGATGGCTCCTTTTTGGAATCTCCGTCG  
ATTCCC

>trans\_c\_7953 AJ303457|Arabidopsis thaliana partial mRNA for ribonucleoprotein 1 (rnp1 gene)

AGGGAAGGAAAGGGGCAATGGATTCGGATCAAGGGAAGCTTTTTATTGGTGGGATTTCATGGGAGACTTCTG  
AGGATAAGCTAAAGGACTACTTCAGCAACTATGGTGAAGTTATGCATACGGTCACCGCAGAAACGCCTGCTGT  
CGATGAGT

>trans\_c\_7954 DQ001749|Cucurbita pepo voucher P.M. McNutt 015 (FLDCI) 16S ribosomal RNA  
gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CTGTACGGCCAAGGCGTGGTGGGCCATCCTGGACTTGAACCAGAGACCTCGCCCGTGAAGTAAATCATCGCA  
CCTACGGTCCAACCAATTGGGAGAGAATCAATAGATTCCTTTTCGGGAGCTACGTCAAGGGCTGAGGTCAAAC  
GAGCTTTT

>trans\_c\_7955 AF034631|Panax ginseng chlorophyll a/b binding protein of LHCII type I precursor  
(CAB) mRNA, nuclear gene encoding chloroplast protein, complete cds

CAGGAAAAGTTGTTCTTTGAATGCACCTACCGAGCTCTCATCCTCGGTTCTGAAGCAACGGTAGAATCTCAAT  
GAGGAAATCCGGAAAGCCAGCAGCTTCCTCAGGCAGCCCATGGTATGGTCCCGTGGCACAGTTCATGGAACA  
GTTACCAG

>trans\_c\_7956 Novel Gene

GATCAGGCCATAGCCGACAGGGTACCACTCGATCCTTCCCAGTCAAACGCGGCGTGTTCTGAATTCTGATCGCT  
TTTACGCGAGAAAGGGGGACCACCCTCTAAGCCTAAGTATTCCTCAATGACCGATAGCGTACAAGTACCGTGA  
GGGAAAG

>trans\_c\_7957 AB451201|Chlamydomonas pumilio var. pumilio chloroplast psaB gene for P700  
chlorophyll a-apoprotein A2, partial cds, strain: NIES-1850

TAAGTGATGAAGATTGGGATTAATACTAAACAAAACCTCATTTTAAAGACTCACGACAATTCAGTATTAGGTATT  
ATTATATTATATTCTACACTTACAAATGTTGTATCATTGATTTTGGTTATTCAATTTTACGTTCTTTTACCCTGG  
GT

>trans\_c\_7958 XM\_001698476|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGGGCTGGCATAGTTGTCTCTCGCATGCAAGGAGATGCTGCTGCTGGATGTCATGGTTCTGGGGCGCCATGA  
TCCTTTTCTCTGGAACAAGAGAGGTTAGAATATGCGAGACCAAAGACTCAAAGAATTTGAGAGACCAATCCAT  
AAAATCGG

>trans\_c\_7959 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

TGTCCGACTCGGACCTATATGACATGACCGAGCAATAGAAATACTCTAACACTCCACCTTTGTCATATATTCCA  
TGATTATCCGCTAAGAATTATGGTAGAGCAGTTTATGAATGTCTACGTGGTGGACTTGATTTTACCAAAGATG  
ATGAAA

>trans\_c\_7960 NM\_126129|Arabidopsis thaliana FAD-dependent oxidoreductase family protein  
(AT5G67290) mRNA, complete cds

CTCAAACCTCCGGTGAAAAAGCAGTGCGTCCTCCCCGAGTTGACTCCGGGTGGCTTCAACACAACCGATTTCGCC  
TCCGTGTACACGTGCGGATAGTTCGTGTGACAGCGAGGAGATGTACTACGGCGAGGAGTTGGCGAGGGGGCC  
TCGATAAGA

>trans\_c\_7961 XM\_002889633|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATNRT2:1, mRNA

GCTCCAAGAAGAAGAAGATCTTGTTGTACAGATCAAAGACCAAACCCGTTTCTGATTGATGGAGTTGCAAAAG  
CTTTGATCAAATCACCTATTTCAATTTGATGATGAACACAAAACCTGCAGACACAGCGGATGAAACCTCTCGCCC  
GCAGAC

>trans\_c\_7962 DQ525855|Agave tequilana chloroplast glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase  
B subunit mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

TGTGTGTGACATCCCTCTTGTTTCTGTGGACTTCAAGTGTACTGATGTTTCCTCCACTATTGACTCGTCATTAAC  
AATGGTAATGGGAGATGATATGCTCAAGGTTGTTGCCTGGTACGACAATGAATGGGGATACAGCCAAACTCA  
ACAGCT

>trans\_c\_7963 AY178839|Glycine max phosphoribosylformylglycinamide synthase (FGAM2) gene, complete cds

GGAGAGCATACTTTCCTGATGATGGCGTTCTCGATCGTCTTCTCCACTCTGACTTGGCTCCACTAAGATACTGT  
GATGATGATGGGAATCCAACCTGAAGTTTACCCTTTCAATGTAAATGGGTCTCCTCTGGGAGTTGCAGCATAAA  
CAAGAG

>trans\_c\_7964 EU002435|Neurada procumbens photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB) gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes, complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

TCTCAGGGTTGGGTGCTTTGGTTTTGGTGCATTTTCATGTAACCGGATGTGCGTTGAATTTCCGCGTTTTCGAA  
TCGAAGGCGTTCGGCCAATTCCTTGCACCTAATGCCCGAAGTATGTTTTGTGATCCTTTGGGTGCAAGGGGT  
GGAATT

>trans\_c\_7965 L43541|Pedinomonas tuberculata chloroplast large-subunit ribosomal RNA (rrnL) gene

CAGGAAAAGCTCGAACGACCTTCAACAGGGAAACGTTACGTTTTAGGGTTAGGCGAAATAGGCGCGATATGT  
GGTCGTAGACCCGAAACCGTGTGATCTACCCATGTCCAGGGTGAAGGTCAGGTAACACTGACTGGAGGCCCCG  
AACCCACAA

>trans\_c\_7966 AY274260|Cucumis sativus photosystem II 47 kDa protein mRNA, partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

GAAAAAGGAAAACAGGGCCACAAGCATCAGTTTTAAAAAGCTCGAATTTAATAAACTTCACATGTTAATCAGC  
TTTGTTGAATATAAATCATCACTTGCGTTCAACACTATACTTCGATTCTGCTCTTCGAAAAGGAACATCGGCTCT  
AACAA

>trans\_c\_7967 Novel Gene

GATGCACAACCCGGCCTAGCGTGCATATACAAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCC  
TTAACGGGATGGAACGCGGACACAGGTGGTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCGTAAGGTGTTGGGTGG  
ACTTTACAA

>trans\_c\_7968 Novel Gene

GGTGGTGCTGGGGATAGGGCACAACAGTGATGTATGTGTGATCAGATGTATGGATTTAACGAAAGAGGAGG  
TGATGATGGAGATGGAGATTAGAAAAGGCTAATGACGAACAAAGGCCAACTGCACCTGTTCAATTCATAGTG  
ATTTTCCATC

>trans\_c\_7969 AJ236706|Humulus lupulus Hl7SL-1 gene for signal recognition particle

TGGTGCTTGGGCGGAGGCCAGGTTCCATGGGCTTCTAGAGCGGGGGGAACGCGTGAGGCTGGCTCGACA  
GAGCAACGACAACCTCCCTCTCCATGCAGTGGAAGGATAACGGGCCGTGCCTGTCGGATCCAATTGTCCCAG  
TGGGGATGG

>trans\_c\_7970 Novel Gene

ATTTTGGGCTTCGGTAGGTCCATTTGACTCCAAGACAAAGTTGAAATATGAAATGGGCTGGTAAGCCAACCTT  
TAGATATTTGCATCTGCTTTATCCCCTTGATCTGTTTATAACGATGTCAAGACGAGGGTAAACAGATGCATTTCCG  
CATC

>trans\_c\_7971 AJ006956|Linum usitatissimum sad2 gene, 5'flanking region

TTTTGCAGACGACTTAAATACGCGACAGGGTATAACGTCACACTGTGTGACGGCTGGAGCTATACACTTTAGC  
AGAACGCGGTATACGCAGTCTCGGTGGATTTCTCACGTTGAACCTAAATAGTCACAAGGTTAATGCACTGTCTG  
GTCTTAC

>trans\_c\_7972 GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

TTACATACGATGAAGATGAGGATATGCACGGCGGAGCACAGAGAGTGCAGTGTGCTCAACAATGATCTGGAT  
TAAACTTTGGGGGAGGAGTGGGGCTACCGCCGTAACACATTGATTGATGGTTTCGACATACACAACACAAAC  
ACGTGTAAC

>trans\_c\_7973 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

CAGGTAAATTCCTTCCCTTAGTACCGTACTTGAGAGTTTCCTACCTCATACGGCTCAACAGTCAATTCTTTTGCT  
GTCCCATATTTAAAAAATTTATCATAGATGTCCAGTCAACTGCTGCGCCTCAACGCATTCGGGGAGAACCAG  
CTAG

>trans\_c\_7974 AY375335|Gossypium barbadense fiber polyubiquitin mRNA, complete cds

TGACGAAAATCTGCATACCACCACGGAGACGCAACACAAGGTGGAGGGTGGACTCCTTCTGGATGTTGTAGT  
CGGCCAAAGTGC GGCCATCCTCGAGTTGCTTTCCAGCGAAGATAAGACGCTGTTGGTCTGGGGGAATGCCTTC  
TTTGTCT

>trans\_c\_7975 Novel Gene

ATATTCCTCAATGACCGATAGCGTACAAGATGGCGTGAGGGAAAGGTGAAAAGAACCCTATTTAGGGAGTGC  
AATAGAGAACCTGAGATCCGATGCTTTCAATCAGTCGAAGGAGCGGAGCTTAGAGCCTTTACTTTCTATTAGT  
AAAGCGCA

>trans\_c\_7976 D55646|Cucurbita pepo mRNA for catalase (cat2), complete cds

CCGATGCCGCCCAATGTGCTCAGCGGAGGGGAGAGGGAACACACAGCCTTAGGGAGAAATCATAACTTCAA  
GCAAGCTGGAGATAGATACCGATCATGGGCACCAGACAGACAAGAACGATTCGTGAGGCGTGGGTGTTCTA  
TGCGCGGAC

>trans\_c\_7977 AF370437|Mercurialis annua type androdioecious ribosomal protein L32 (rpl32)  
gene, complete cds

GTGATCGTCTTTGAATGTAGGTCTAAACCAGGCCCCCAAATCAGAAAGAATCAGAGGGAGCAGACATGTTGA  
CCTGTGAATTCGATCTCTGTGCACACTACCATGCTTCCTTCATTCTTTATTCCAGAGCATCGGCTTATTGTACA  
CAGACG

>trans\_c\_7978 HQ323256|Vitis vinifera sucrose transporter (SUC11) gene, complete cds

GAACTGCATGTTAATTTATTCTATTTTCATAGTTACATTGATTGTGTTTCGTTTTGGATCCTTTCTCTGATGGGGA  
CAAGAAAACAACGTGATGAAAGTTATGCAAAGGGAGGGAACATGGCCATGACGTACAAATTTAGGGGGGGG  
GCGAAAC

>trans\_c\_7979 HQ340170|Oryza coarctata ubiquitin 2 gene, partial cds

TGGAAAGCAACTTGAGGACGGCCGAACCCTTGCCGATTACAATATACAGAAGGAATCTACTCTCCACCTCGTG  
CTCCGGCTCCGTGGTGGCATGCAAATTTTGTCAAGACTCTTACCGGAAAGTGATACACCCTCGAGTGTTCACT  
TCCCG

>trans\_c\_7980 NM\_001069203|Oryza sativa Japonica Group Os09g0248300 (Os09g0248300)  
mRNA, complete cds

CATTTGAACTTACACAGGAGTTCTCTCCAGTGCCATTGCTGAAGTCCTATCTAAAGGAGGCAAAGAAAGTGTC  
TTCACCTGTCAGATCTGGAAATACATCCCAAAGTGCACAGAATGATGTTAGTGACAGAGAGCTGACCGCCAAA  
TTGGCC

>trans\_c\_7981 HM049633|Magnolia officinalis internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S  
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GACAGGCATGCCCCCGGAATACCAGGGGGCGCAATGTGCGTTCAAAGATTCGATGATTCACTGAATTCTGC  
AATTCACATTACTTATCGCATTTGCTGCGTTCTTCATCGATGCGAGAACCAAGAGATCCGTTGTCGAAAGTTG  
TGATA

>trans\_c\_7982 NM\_001061844|Oryza sativa Japonica Group Os05g0361200 (Os05g0361200)  
mRNA, complete cds

TCTTTTCAGCCTCTGGTTCCACTTGGTAGCGTGGAAGAGTTATTAGCAGCATATGATTCTCAACGTAGGCAGCT  
ACCGCCACCTGTAAGTGTATGGGAATGGGGTTGGACGAAAAGTGCCGAAACCTGGAATGGGAGAGTGATGG  
CATCAGA

>trans\_c\_7983 AB018441|Nicotiana tabacum phi-1 mRNA, complete cds

ACATTGTGCTTGCCATTTTCATCAGCCGATGTACGGACCTCAATCGCCACCATTGATTGCGCCTAACGGCGATA  
TGGGAATGGACGGAATGATTATTAACCTTGCTAGTCTTTTGGCTGGAAGTCTACCAATCCGTGTTGGTGGGC  
ACCCA

>trans\_c\_7984 AY058069|Arabidopsis thaliana At2g46080/T3F17.27 mRNA, complete cds

TCAACAAAAATAGTCATTACATAACATCAAGATCTCATAAATACTACTTTAGTGACAATGAGCCGATTACGTG  
AACCGCCAAACAGGCAGTTTTTCCCCTTTGGGAATCCCTCCGCATGAGATCTCCCGCTAAGCGATCTGCCGAA  
GCTG

>trans\_c\_7985 DQ306808|Hevea brasiliensis isolate SSH79 mRNA sequence

GGAAGTGTCAAAAAGATTGATCCCGCCTACGAGCATACCAAAAAGAGAGAGCATTAATTCTGCCATACCAC  
ACTGCGCCTTCATGGCTCAGATCAACACTAAGGTTAATGTAGACTACTTGAGATCTCTAGAAAACAGAGACAA  
TAATGG

>trans\_c\_7986 NM\_001036866|Arabidopsis thaliana emb1138 (embryo defective 1138); ATP binding / ATP-dependent helicase/ RNA binding / helicase/ nucleic acid binding / zinc ion> (emb1138) mRNA, complete cds

ACACTGTGTTTTGTCTGAGTAAAAACAATGGTCTTCCCCCTTGCATAAACTGTTACAAGATCTCTCAGAATA  
GTTTGCTTCGAAGTTGCAGTCGTTAATATGGCATGAAGTTTGATCCCCTCAGCAAGCTTTTCATCTTGGTCGCC  
AAC

>trans\_c\_7987 NM\_001084046|Arabidopsis thaliana eukaryotic translation initiation factor-related (AT1G11480) mRNA, complete cds

GGCTTACTGAACATTCACATTCTGCTTGGGATGGACCGAGTGCTGTCTCAAAGCTTGCTCATGCTAGTGCTCTT  
GAAAAGGTGTCTTCAGGGAGGTGGCAGTCAAAACAGTCTCTTCATTATCAAAGTATGTTGTTGCCCATCTTC  
CGAA

>trans\_c\_7988 EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds; chloroplast

GATTGGTCTGAACTAACGATAGTGCAAAGTCGTATCTCTTTGGTTAATAAGATCCAAAAGGTTTATCGATCCC  
AGGGGGTGGAGATCCATAATAGACATATCGAATAATATGTACGTCAATATTGTAGTTTTCAGAACCAAAGTCC  
CTCGG

>trans\_c\_7989 FJ604856|Vitis vinifera strain DAHPS01 3-deoxy-D-arabino-heptulosonate-7-phosphate synthase mRNA, complete cds

CAATCCTCTTCTTGACACTAAATCCCAACAACCCATTTCTTTTTTGTTCATCCAACACCCATCGCAGGCTTCGC  
CAACGGATCTCTGCTGTCCACGCTGCAGAGCCGGCTAATGACAAGGTGGTTGTTGAGGCCCCACGGACTCCTG  
GCC

>trans\_c\_7990 XM\_002314779|Populus trichocarpa white-brown-complex ABC transporter family, mRNA

TGAGACAGGAGGACCTATTTTTCTCACAGCTAACTGTGCGAGAGACACTGACACTTGCTGCTGAACTTCAGCT  
CACTGAGATATCTTCTGTAGAAGAGAGGGAAGAATATGTTAACAATCTGCTCTTGAACTAGGTTTGGTAAAC  
ACACAG

>trans\_c\_7991 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GTCATGGGGCATAAACATTGTGCGTGTGGGTTCGGTCCTCCAAGGCCTGTTAGAGCTCTCTTCAACCTGCTCAT  
GGCTAGATCGATCGGTTTCGGGTCAAATAGGAAGAACGAGAATCTTCAGCAGAGCAAAGGATTCTACCAATC  
GCTCGG

>trans\_c\_7992 X15199|Soybean 5S rDNA gene for 5S rRNA

CAGTCTTGAGGCGTCAATTCGCACGAACCCGCTCTCATCTACTCGAGTTGGGTGACCACTTGGGAAGTCCTCG  
TGTTGCAGGGAGGGGTGCGATCATACCAGCACTAATGCACCGGATCCCATCAGAACTCCGCAGTTAAGCGTG  
CTTGGGC

>trans\_c\_7993 XM\_002317493|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb3 (Lhcb3-2), mRNA

TCTGTTACCCAAGTACGATGGAGTCTGGGCTGAAAACGGCCCCAAGTACTTAACTCTGTCGGGTCCATACCAC  
AAATCATTTCCCATGGTGTATTTTCCAGTTCCCATGGCGACGAAATCTCTGAGGGGGTTTTGAGGAGAGCCTCT  
GGTCT

>trans\_c\_7994 FN563076|Ignatius tetrasporus plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene,  
tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain UTEX 2012

TGTATGAATGGCTCCACGAGGGTTCAGCTGTCTCTTACTTTTAACCAGTGAAATTGACCTGCCCCGTGAAGAGG  
CGGGCATGACACAGCAAGACGAGAAGACCCTATGGAGCTTTACGGGCGGCCGTACCCACTGCAAGCCACCCA  
AACACCC

>trans\_c\_7995 M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
3-5

ATGGGGATTCTATTTATCGCTGTAGGATTCTATTCAAGATCACTGCAGTTCCTTTTCATATGTGGGCACCTGAT  
ATCTATGAGGGTTCACCCACCCCGTTACAGCATTCTTTCTATTGCGCCTAAAAGAGAGATTTTGTAGCTATA  
AAA

>trans\_c\_7996 XM\_002873641|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TCTTTCCTATGAAACCTCTGAAGCACTGAAAGATTGTTTTGACATCTATGAAGATATAAGCACGGACAGTGT  
AAGGCCAGTGGATAGAGAAAATGGAAGAACTGAGGGTGAGAGTTCAGGGCAGGACAGGGAACATGGACGT  
CTGGCGTG

>trans\_c\_7997 GU270836|Vitis vinifera cultivar Cabernet Sauvignon pectate lyase-like protein 2  
mRNA, complete cds

GAGTGGAGGACCTGGATCTGCACCCACAGGTCATTCTCCTGGTGGAGCTGCTGCTGGGTATGGCAATCAGGG  
TTATGGATATGGTGGGTTTGGTAATCAAGGTTATGGTTATGGTGGAGGTGATGGCTCGTACGGTAGTCAATCT  
GTGGCGT

>trans\_c\_7998 NM\_001061844|Oryza sativa Japonica Group Os05g0361200 (Os05g0361200)  
mRNA, complete cds

TCTGGGATAGAAAAATGGGGACGTGTTCTGCATTAGGATGTGAGCCTACTTTCATAACAGATTTGGCTGATG  
CCGTAATTGAGAGTCTCCGTATGTGGGGGCGATGGCTATATCAAATCTTGAAGCTCGGCAGCCTCTGGTTCC  
ACTTGG

>trans\_c\_7999 NM\_128697|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein  
(AT2G31400) mRNA, complete cds

GAACGAGTAGCTGGCTTCTAACTTTCTGGTCACCGATCAACTCGATTCTCTCTAAGTTTCACTTTGGTCGCCC  
CAAATCCTCCATGGCCACTCGTCACACTGCGATTGCTGAGGAGGTACTGCACCAGTTGCTTCAGTTTGCATTCT  
CGT

>trans\_c\_8000 XM\_002315532|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit  
(CHR914), mRNA

AATCAGAATACTTTAAGCAAACGATGCGGCAAGGTGGTCCAACAAAACAAAAGAGCCCAGGATACCTCGCA  
TGCCCTCAGTTGCACGACTTCCAGTTTTTCAACACACAGAGGTTGAGTGAAGTCTATGAGGGTCTTCACTAACGC  
TCACGT

>trans\_c\_8001 AM489967|*Syzygium jambos* plastid external transcribed spacer, ETS, specimen  
voucher Lucas 214 (K)

ACAATCACAAATTTTCATGTTGGCCCCAAGTACTAATACTGGAAATTACGATCAAGGATATGAGATAGTTGGAG  
GAGGGGCTCGCGTGACTAATCGATACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCC  
ATGCAC

>trans\_c\_8002 GQ916662|*Allium ampeloprasum* 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene,  
partial sequence; chloroplast

CCAAATTCTTGTTGGCGTTTGCCTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAAGTATCGCGCTC  
TTTCTCTTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCACAGCTTCGGCAGATCGCTTAGC  
CCC

>trans\_c\_8003 AL161591|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 87

GTAGAACCAATGAAGATAGAGGCGCAATGAAATATGCGAGGAGAATTTGACATAAAGAAAGAGACGGTTGC  
ACCGCCTCAATGAACAAGGAAACCTGGAATATATATTCAGTTTGAAAGTGGAATCAAATAAAGCCTCCATCCT  
CGGGTGGT

>trans\_c\_8004 L42851|*Prototheca wickerhamii* large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial  
sequence; chloroplast gene for chloroplast product

GTGCTTCGGTGAGTTAACGAGTCCAACAAATCAGAGATTACCATTGCGGAGATTAGAGATACGATCGTCCTCC  
ATACGGGTGCTAACGTCCGTAGTCAAGAGGAAAACAATCCAGACCGCCAGCTAAGGCCCCAAAATCATAGGA  
GTCGCGC

>trans\_c\_8005 GQ998075|*Cornus florida* voucher FLAS:M.J. Moore 328 ATP synthase CF1 alpha  
subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

AGGCCGGCGGTTTTCACTTACAGTTTAATAAACTGCAGTAGCCACGGATACGATTCTCAATCAACAAGGGCA  
AAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGTCAAAAAGCATCTTCTGTGGCTCAAGTACCAGTCCAGGGGTGA  
AGGGAA

>trans\_c\_8006 AF479133|*Staphylea trifolia* 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TTTTTGGGCAGATAAATGGCCAGATCCTAGACTCGTACAATCCTCGGGATGATTCCCGTCGATTCATGTTGTGA  
TCGTGGGTGATCACAGTTGGCGCGGATTTTCATCATCGCAAGAACCTACTGCTGGTGGCAATCGAGCGATAA  
GCACAT

>trans\_c\_8007 Novel Gene

TCCACGATGGACGCGTAGCGCGCCCGTACAACCCCAAGAATTCAAGACTGCCAAATTGTGTTTGTGCTTGTTG  
CATACGCAATGCATATCTCATAGCCTTGGCACGATGCGAGGAGTGTCAGTCAGCCAGGATGTGGCTGCGG  
GTGATCT



>trans\_c\_8008 Novel Gene

CCCCTGTTCTTGTGTTAGGTTTGTGTTTCTATTAAGTTTTCTTCGCCATATTTCCGTCCGAGGAAGACGGAAGT  
TCTAGGTTTCAGTTCAGCTTTTCTGCAGAATTTCAATTTTGAATTTCTTTGAAGGGGTTGAGTCAAATTTTGG  
G

>trans\_c\_8009 EU182720|Salvia miltiorrhiza translationally controlled tumor protein (TCTP) mRNA,  
complete cds

AAAGGTCAAGGACTTGCAATTCTTCGTTGGGGAGAGTATGGCCGATAGCGATATGGCAACGCCCATGCACTC  
AGGAGAATGACGTACTGACCCAACATTCTTGCCTCGGGTTCGTTCAACCAGCTTCATTGACGACTGCGCATCC  
ACTCTGG

>trans\_c\_8010 NM\_100544|Arabidopsis thaliana NIH (NUCLEAR DEIH-BOXHELICASE); DNA binding /  
DNA helicase (NIH) mRNA, complete cds

AAGCTCTTCATAGAAGAAGCCACCTAGGGAGAACAAGGACAAATCAGGGGAAGCAAAGCCTTCACCAAAGAT  
AAAGATGTAGACAAAGAAGGAGCGAAAGGGGGGAAAAGAGGCAAAGACTCCAAAGAAAGTCAAGAGGCTG  
CCTCCGGGGT

>trans\_c\_8011 GQ916683|Pinus radiata 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial  
sequence; chloroplast

AGCCTCAAGGCAGTAGATCATCCACCAGACTTTGGTTCTTGTCTCCTTAGAACTCAAGGACACAGATGTACAAC  
CGCCATGTCCATGAAGGGAGTTGAAGGTCGTTGAGCTTTTCTGGGAGTATGGCATGGGTTACTTCAGCGCC  
GTAG

>trans\_c\_8012 NM\_001160839|Arabidopsis thaliana PDS1 (PHYTOENE DESATURATION 1); 4-  
hydroxyphenylpyruvate dioxygenase (PDS1) mRNA, complete cds

AAATACAGACGTATTTGGAGCACAAACGAAGGAGCAGGAGTTCAGCACTTGGCATTGATGAGTGAGGATATTT  
TCAGAACCTTGAGGGAGATGAGGAAACGAAGTAGCGTCGGTGGATTTGAGTTCATGCCGTCGCCGCCGCCAA  
CATATTA

>trans\_c\_8013 EF186643|Lotus corniculatus isolate DGGE gel band D 16S ribosomal RNA gene,  
partial sequence; chloroplast

GGCCGCATTGTAGCACGTGTGTCGCCAGGGCATAAGGGGCATGATGACTTGACGTCATAAGACAAGGAAG  
AATTAGGCGACAATTACTGAGTAGACTTTGGAACCACTCAACGGTTGGCAAGATTTACGAGGGTTGCGCTCG  
TTGCGGG

>trans\_c\_8014 Novel Gene

GGAGGAGGAGGAGAAGCGCAACGAGTTGGATCCGAATCAGAAGACCAAGAGAGCGAGAGGAGATAATCAT  
CAAGGACTAGTAATGGCGGAGGAATCGATGTGCGTTGAGAGGATTTTTGAAGCGCAGAGGACGTTAGATGT  
CGTCTCGACC

>trans\_c\_8015 AY517656|Schiedea lychnoides internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S  
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GTCGGGAGGGAAGCGGATGGGGGCCGGCTCGTGTAAGACTAACAACTCTCGGCAACGGATATCTCG  
GCTCTCGCATCGATGAAGAACGTAGCGAAATGCGATAGAACGCGAATCGTAGGACGCCAAATTGTTTTAG  
GGGGTCTA

>trans\_c\_8016 NM\_001049036|Oryza sativa Japonica Group Os01g0232100 (Os01g0232100)  
mRNA, complete cds

AGAGAGAGAGAAGAAAGATGAGATTTTTTTGAACTTTCTGGGAGTCTTCTGCCTTGCGGAGTAGGTTGAGGA  
GAACCCGCTAAAGAAGCAGAGCGGAGGCATCCAAATTCAATTCCTCTTCTTAAGCCCTAATTCATTAATATG  
GATTT

>trans\_c\_8017 GQ998140|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 23S ribosomal RNA (rrn23)  
gene, complete sequence; chloroplast

GTAGTCATAAGTGCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATGACAGGACAGGGTGCGACCGA  
AGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAACAGCGGTAACCTCGGAACGATAGGGCCTTCCACTAAACGGACCTTAGT  
TTATGTTC

>trans\_c\_8018 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGGAGAAAGATGCAGGGTAATTTGTCTTCTGGCTAGTCAAACATGGA  
CTGGTTCATAGATCTTTGGGTTTCGATTACCAAGGAATAGAGACTTTACAAATAAAGCCCGATTCCCAATGCC  
CATTGCA

>trans\_c\_8019 U22428|Arabidopsis thaliana starch branching enzyme class II mRNA (sbe2-2),  
partial cds

AAGCTTGGATACAATGCTGTCCAGATCATGGCTATACAAGAGCACTTACTATGCTAGCTTTGGGTACCATGT  
CACCAACTTTTTTGCTCCTAGTAGTCGTTGTGGAACCCCTGAAGAACTTAAATCGTTGATAGAGCACCATGTTC  
CCA

>trans\_c\_8020 AF070949|Arabidopsis thaliana tRNA-Pro gene, complete sequence; and  
serine/threonine protein phosphatase 2A catalytic subunit (PP2Ac-2) gene, promoter region

GACGTAGCCTCCGAAGGCGGAAGCGGAGCGACTCAAATCAAAGACGTGGGGACTTGTCTTCTTATATTA  
TAGGCTTTCCCGAGTCCGACTATCCACTGAAAGTAGGCTTGATGATAATAGTAGAATAATCGCTAGCCCGATG  
CTCGC

>trans\_c\_8021 EU399630|Triticum aestivum S-adenosylmethionine synthetase (SAMS) mRNA,  
complete cds

ACCTGGCAGTGTTCTGCAGCATGACAAATGGTGCTATGGTCCCTGTTGAGTCCACACAGTGCTCATCTCCA  
CCCAGCATGATGAACTGTCACGAACGATGAGATTGCAGCTGATCTTAAGGAGCATGTCATCAAGCCTGTAGT  
CCCT

>trans\_c\_8022 AY166803|Phoenix dactylifera NADH dehydrogenase subunit A (ndhA) gene, partial  
cds; and NADH dehydrogenase subunit I (ndhI) gene, complete cds; chloroplast genes for chloroplast  
products

TTCGAAATATATAGTTTCAATCTAAATTAAGCTACAATTCTCATGAATCAATAGTTTGGATTGTAGGTAGTGACCAAACAAACAAAACGAAAGAAACCTCATGTCTTTAGATCAAAACAGAACCTTAGTAATTGTATTAATCTCTTTAAT

>trans\_c\_8023 XM\_002872030|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-8 (TUB8), mRNA

TGGGAACTCTTTTGATTTCCTTATTAGAGAAGAATACCCCGACAGGATGATGCTTACCTTCTGTCTTTCCATCTCCCAAAGTGTCTGATACTGTTGTTGAACCTTACAACGCTACTCTATCAGTTCAGACCAGCTGGTCAAATGCA GA

>trans\_c\_8024 AF479227|Greyia radlkoferi 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AATGGGTTAGTCGAGCTTCGGAACTAAAAAGGATTTAGTTCTGCCGCGACAGCGCGAACTTCGAAAGGG AATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCTAAAATTCTCATGGCCGCCC CCGGGA

>trans\_c\_8025 AY635050|Solanum brevidens S-adenosyl methionine synthase mRNA, complete cds

AATAGAGCTCTGGTTCGGTTGGCGTATTAGCTCGAATTCTTCTCTTCCAGATCTACGCTGCCGATTTCATCA GAGATGGAGACCTTTCTATTACCTCTGAATCCGTAATGAGGGTCACCCCGTGTTTCAGAGTGTCAACTCCTGA AT

>trans\_c\_8026 XM\_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

GAAGGTGGTGTCAGTGAGTTATCCAAAGTCATTCTGCAAGCTGATCCTTCACTTCCTCATTGTTGGGAATC TGCTGCCACTGTTTTAGCAAGTATTCTACAGTTCAGTCTGAATTTATCTGGAAGTCCCAGTTGCAGTGTGTTG AC

>trans\_c\_8027 AY518204|Suaeda maritima subsp. salsa CAX (cax) mRNA, complete cds

TACAGGAAGACCGTGTGTTGACAACGTAACGAAAGCAAAGCAATAAGGAGTGTCAATCCAACAAGCCATG CAAATGCACTCCAGAATCCGATCACTGCCTCTTCTCCTGGAACGTCATCGTCTTCACCTTCTCAGCTTCAAATA GTTG

>trans\_c\_8028 HM042519|Amphidasya sp. Morawetz & Wallnofer 114-11888 external transcribed spacer, partial sequence

TGCAGGAAAGAGAGCAGAGGAGCAATTCAAACCATTCAAGAAAGACCAGCTTCGTTAGACTTGTTACCCCAT GTACGGATTAATATCTCTCCCGAAACACCAAGTATCACATCCAATAACGCGGGTTGCAAGTACCCCTTAGATTGG CGACG

>trans\_c\_8029 DQ026521|Chara tomentosa voucher Blomster JB705 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTCTAATGCCACGTTCAACTAAGAAACAAGGGCTTCTTACATATGTAAAGTTTGAGAATAGGTTAAGGTTGTT TCAACCCCAAGGCCTCTAATCATTCGCTTTACCTCATAAACTGATTTGCGCAATGACGATAGGACTCCCTTTG AAG

>trans\_c\_8030 DQ629278|Notothylas breutelii large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GTAGTCATAAGTGCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATGACAGGACAGGACATTCACGA  
AGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAACAGCGGTAACCTTCGGAACGATAGGGCCTTCCACTAAACGGACCTTAGT  
TTATGTTT

>trans\_c\_8031 FJ422350|Chamaerhodos nuttallii external transcribed spacer and 18S ribosomal  
RNA gene, partial sequence

CATCATTTTCATCACAGACAGAAGCATAGTGATGATGATTTAAACATGTCCGATCAATTTATGACTGGAATATC  
AGGGAGGGGGGAAGAGAGGGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCC  
ATGCA

>trans\_c\_8032 AY217657|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, partial cds

TCTGCTAGCAGTTATGAGGTCCCATCCATGAGCTCACTTGAACCTCAGTATCTTGTTCGATGGGCTAACCGATGA  
TGCTCGTGTAGATTATCAGAACCTTTCGGCTGCAGCTATATACCCACAGTTATTTGTACGAACACATACGTCT  
AG

>trans\_c\_8033 AJ506156|Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

CATGCCGCCAGCGTTCATCCTGAGCCAGGATCGAACTCTCCATGAGAGATGGGTTTTCCCTGCGATGACAGGA  
AAAAAGTGGTTGTTAGACAGAGGCCTACCCATCGGGTATTATTGGGCCCAAGGGAACCGGCCCGTTATCCTTT  
TCACC

>trans\_c\_8034 AL161571|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 67

AAGCTCCAAATTCAAAGAATCAATCTCTGACTTAAGCTTCATTATCAATTGCCATTCTCATTTGACTGCGTTTC  
AAGCTTTGAGTCTAACAATGCTTTCAATCTGGTTAACTCACCTGAGAGAATCTCTACCTTCTCGACATGAATCTC  
G

>trans\_c\_8035 NM\_203216|Arabidopsis thaliana CwfJ-like family protein / zinc finger (CCCH-type)  
family protein (AT5G56900) mRNA, complete cds

GAAGGTCGATCAGTAATCCCTCTTTCTACGTACTTCATTGGCGACTATGGCGTCGGTGCAGCTAAGGTTCTATT  
GGCTTCTTCTAAAGACTCAGCCAATCAAGGGTTTAAATGGACGGTTTGAAGATTGCGGGAATTTGCACCAA  
CCCT

>trans\_c\_8036 BT011949|Arabidopsis thaliana At5g16510 mRNA sequence

TCAAACCTTTAGGCTACCAGAAGCAGCAGTTACAGCTGAAGCCTGTTTTCTCGAGATTGCGAAGGCAGTAAGG  
GACCAGCTTGCCGGTCCAATCCAATGTTCTCTCGTGTGCTGAAGCCATGGTCGAATGGGTTGAGTAAACAG  
GAGAG

>trans\_c\_8037 AF528941|Tasmania lanceolata photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem  
II cp43 protein (psbC) genes, partial cds; chloroplast

TGGGGTTTCTAAACCCTGGTTTTCGCCAATCGTCACTGGTAACTTATTCAAAGAAGTCGAACTCAACCCAATTT  
TCGTGCCTTACATAAACGTGGTAGGGGTAGGAGTTTAAAGTATTTTCTACGGTAGCACCATGAATAGCGCAT  
AGCA

>trans\_c\_8038 Y15107|Glycine max tufA2 gene

GAGACTGTGGATATTGTGGGATTGAGGGAACTAGAAACACAACCTGTAACAGGGGTGGAAATGTTTCAAAA  
GATTCTTGATGAGGCTTTGGCTGGGGATAATGTTGGGTTGTTGCTTCGAGGTGTTTCAGAAGGCTGATATCCAT  
AGAGGGA

>trans\_c\_8039 U41502|Tetrameles nudiflora 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

GAGGTTGGAACCCTGAGCAGACTGCCGGTGATAAGCCGGAGGAAGGTGAGGTACTGCAGTTCAGTAGTACG  
GGGAATACGGGACCCGCCCTTCTGCCGGCGATGCGCTCCTGGCCTTAAGTGGCCGGGTCGTGCCTCCGGCGC  
TACATGGG

>trans\_c\_8040 AF525770|Populus tomentosa tRNA-Val gene and 16S ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast genes for chloroplast products

TGCCGCCAGCGTTCATCCTGAGCCAGGATCGAACTCTCCATGAGATTCTTAGCCGGAGATGTCAACATGCATA  
AATTCAGACATATGCTTGTCAATAAAAAATATTTAATCATCGGCCATCAAAGTTCTCCGGGTCCGCGGTGCTACT  
ACCA

>trans\_c\_8041 AY941508|Lycopersicon pimpinellifolium receptor-like protein kinase (CT268) gene,  
CT268-7277b allele, partial cds

CATGGGTTACCCCTCAAGGCTCGTCTCTGCTTGGACTGGGAATGATCCATGTGAAGGCCCATGGCTGGGATTG  
AACTGCAGATCTGGGGATGTCTCTGTCATTAACCTACCTAAGTTCGATTGAATGGGACCTTGAGTCCTTCACT  
TGCA

>trans\_c\_8042 Novel Gene

CCCTTGAGATTAGTTTTCTGAGTCAACCCAATTCAGATTATTCCAATCTTTCAGTATTTATTTGATTTGTCCCC  
AAAAAACTTTGGGAATTACCCGTTGAAAGAGATTTTGCTAGCGAAAAAGCTTCCCATAGTAAATCATAAACC  
CC

>trans\_c\_8043 Novel Gene

TTAGTTTGCCTTTGAATGATTAAATTTCTGCTCTGTTGTGAATTTCAATTTGAGTCAAGGGCTTTGTTAGTTTTT  
TCTTTTCTTTTCTTTCTTTCTGTATGATATTATGAAGCTTAATATAATAAAAAAGAAAACACCAGACATGAA

>trans\_c\_8044 CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

CGAGGTGGAAGCTTTCTGGGTAACCCAAACCGACTACTGGGTCTCCGGAAGCGACTCAACTTCCAATTCCTCG  
ACTTCTTACCTTCCAACCGATACAAGAGGTACAAACCTAAGAAACAAGTCCGATAACAATGTGGTTTCCAGG  
GCACC

>trans\_c\_8045 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

GCGGGATTCTCTAAAACTCTAAAAAAAAGAAGGGGGAAGGGGATTAGTCAAAGATATTTGATTGTTTTCTA  
TAGAAGAGACAAAGAAGCCAAGTCAATACTAGAAATGAAAAAACGGGAATACCAACGCATCCGGGAATAA  
ACGATTG

>trans\_c\_8046 Novel Gene

TATATCCCAGAACATGAGGAATGCCACAGCTCGGTTAGACAATTCTCTAACAGCATCTGGAACCTACAAGCACT  
TCGTTGGCAAATACCAGTTTCTTCAAGATGAGACAGAGATGCTCCACTAGACCAAGTAGGTCACACTGTAGTC  
TCCTG

>trans\_c\_8047 AY249910|Triticum aestivum WCI-1 mRNA, WCI-1-R allele, partial cds

AAAACCCGTCTATTTACCGGTCTAAGATCACTCGTACAAGGAGATTTTCGTCGGAAATGATCGGACGTGGTGTC  
GCGTGGGTGATACACTATGGCGCAGATTTTCATCATCGCAAGACAACCTATTTCATTTTCCCGCCTTAGCTGGTG  
ATCC

>trans\_c\_8048 AP010820|Keteleeria davidiana chloroplast DNA, complete sequence

GTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTTTCTCTGTCTTGGGACTGTCATAT  
TGTAATACTCTCTCTCAACTGGCTCTGTAACTTCTTTGGCTGCTTCTAGGCAAACCTCCTGGCTGTCTCTGC  
A

>trans\_c\_8049 AF314803|Dodonea viscosa chloroplast maturase K-like gene, complete sequence

AGCCTGAGGCAAGCGGGCATCTTGCGAGCGGCGGCCTCTTTATTTTACTGTAATACCTTGTTTTGACTGTATC  
GCACTATGTATCATTTGATAACCCAATAAATCCCATTATCGTATCCCCAGTTCAAATCAAATTTTTTTACCTCCTT

>trans\_c\_8050 AP009376|Nasturtium officinale chloroplast DNA, complete sequence

TCTCCGTAGGATTGTCTGGCCATCTGAACTTGTCTTGGGGGTGAGGGTTCCTAGGACATAGGTCTTCTAAACCT  
TTGGTATAGGTTCAAATCCTATTGGACGCACCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTTTACACAGAGTGCAGAA  
GTG

>trans\_c\_8051 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

AGCATCGGACCAATGATCACCCATGACAAAGCGTGTACCACTAGTGCCACAAAGGCTTTTGGTGGTCTTATTG  
GCGCATACCACGGTGGGGTCTTCGACTGGGGTGACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTTTACACAGACAATGTC  
CACA

>trans\_c\_8052 NM\_112029|Arabidopsis thaliana cleavage and polyadenylation specificity factor  
(CPSF) A subunit C-terminal domain-containing protein (AT3G11960) mRNA, complete cds

TCACAGTCCCTGTTGTGTTTATAGAATTGGCTTACATTTCCCTCCCAACGTGGAACAAAACCTTTATTGAAGAGTC  
ATATAGAGTACAAGATGCAGATGACGAAGGACTATTTAATGTAGCTGCATGTGCGCTGCTGGATGTGGCAAG  
CTA

>trans\_c\_8053 L42991|Chlamydomonas radiata chloroplast large subunit ribosomal RNA (rrnL)  
gene

CACTATAGCTTGGTATTGGCGTTTGGTTCGGTTTGTGTAGGATAGGTGGGAGACTGTGAAGCAGGCACGCCA  
GTGTTTGTGGAGTCATCGTTGAAATACCACTCTGATCGTATTGAACCTCTAACCTCGGACCGTATATCCGGTCC  
AGGA

>trans\_c\_8054 DQ122487|Flaveria floridana voucher 8868, NY internal transcribed spacer 1, partial  
sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial  
sequence

TAAGTTAAAAGAGAGAGTTGCTAACTTTCTTATGGAGAGAGACGCTAGCAGGGGTTCTATTTTTATCCAAGT  
TTGCATATAAACACCGAGTCTTTGAACGCAGACCACGCCCTTCTAAGGAGTTAATGAAATCATGAGTAAGTTT  
ATC

>trans\_c\_8055 AY596505|*Helicosporidium* sp. ex *Simulium jonesii* polyadenylate binding protein  
mRNA, partial cds

TGACGCAATATCAAGCGGAGAGCTAAGGATTAGCACTCCACACACCACGGGGTTTTGGTCTTCTGGCTTGTCG  
GTGGCATCGCTGCTGAGTTTCTTCAGGAAGTCCATGAATGCTTATGAAAATGTAAACAAAACCTGAAAACAGT  
TCGA

>trans\_c\_8056 GQ141514|*Solanum tuberosum* cultivar Bora Valley chloroplast manganese  
stabilizing protein-II (Msp-II) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

TAAGATGGGACTAAAAAGTCTCCTCCAAAGCTCTCTGGTTTTCCAGAAGCCACCAATTGTTTGATGGTGAAGA  
GGAATGGGACCATGAGTGGGAAATTAAGTGCCTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTAAATT  
AAAC

>trans\_c\_8057 AJ005181|*Lycopersicon esculentum* genomic RAPD band 27

TCATACGAAAAGCAAGGCTCCGTTAGGAGTTGGGAAGTAGTACGCCCGGTTCACTAGGTTCTACCACAGCAG  
GGCCCAATCATACAAAATTAGACTCAAAGTAGGACCGAGTCTTCCTTGCGATCGGCGCGTAGGCCACACACGT  
TGCTA

>trans\_c\_8058 BT010654|*Arabidopsis thaliana* At1g12030 mRNA, complete cds

TAAGGTCCAGGTTAGGTATTTTGTGAACTGGATTTGGTTTCGGAGTTTGAGATCGCCAGGCCGACGGCTCAA  
TACTCGAGAATGTTGCAGTCTTTGCCGAGGGTTTTGTGGTACGGCGGAGGAATTGATGAGAATCGTGAGA  
GTTAT

>trans\_c\_8059 GU784915|*Volvox carteri* f. *nagariensis* female mating type locus, complete  
sequence

CTTCATTTTTCAGCGTCTTCTCGTGGCGGGAAGAGACAAGAGGAGGTATCGATAGTCGGACTGATTTATTC  
CATATACTTTGAGTAGGCTTTCTTCTTCTGGTTGGTACTTATAGAGGGCGAGCTTTACCCCTCTCACTACGTC  
CT

>trans\_c\_8060 Novel Gene

GTGTGTGAGCCCTCTGTCCACACATCTATCCAGAAGCAAGTGTAGTTACCGGTTCCACCGAATGCTCCTATC  
TCTCGGCAAAGATCGTGTGAGTGTGCAGTTATGCTTCGGATGCTTCGCCATAGAATAGATCAACCCAGTTCCC  
CTT

>trans\_c\_8061 CP000583|*Ostreococcus lucimarinus* CCE9901 chromosome 3, complete sequence

GGGGGAGGGAAGACTGATCATTCGATCCTTCAGGCTGCTCTTCTCTTTTCAGTTTCATAAGTACTCAAAGCTT  
TAGTATTCTCTGTTGCTAGGGGAAGCCTCAGTCTGTGGCTGTCTAACTTCAATCTCCGCGCTCAATCGTAAGCT  
CG

>trans\_c\_8062 NM\_001054934|Oryza sativa Japonica Group Os02g0797700 (Os02g0797700)  
mRNA, complete cds

TGAGCTTCTTATGGGGGACCGAATTGAGAACTCGCCGTATTTGTTTAAGATGTATAAGAATCAGACAGATGTG  
TTCTTGTGTCAAACGGATCCATTGACTGATGATCAGTTTAAGAACTTAAAGGAGAGGATTGATGAGATGAGAT  
GTCC

>trans\_c\_8063 XM\_001694192|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GAACAGAGCCCCGTTGAGGAAAATGAGTTGAAAATCAATGGATTAGCTAGAAATACAGAGGATGGTCGAAA  
ATCCACTGTCCATGCGCAGGACATTCTGCAAATACAACAACAGCAGCCTCAAGGATCTATGGTCTGCTTTT  
CTCTC

>trans\_c\_8064 AB063191|Cucumis melo CmEIL1 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

TGCGAGAGTGGTGGAAGACAAAGTCAGATTTGATAGAAACGGACCGCCGCCATAGCCAAGTACCAGGCA  
GACAATGCAATTCCTGGACGAAACGATGGCTGTAATTCGATCGGTCCAACCTCCTCACACCTGCAGGAACTTC  
AGGATA

>trans\_c\_8065 X68891|Chloroplast Chlamydomonas geitleri rrnL gene, exon 1

TTGTGGGTTCGGGCCTCCAGTCAGTGTTACCTGACCTTCACCCTGGACATGGGTAGATCACACGGTTTCGGGT  
CTACGACCACATACTATATTCGCCCTATTCAGACTCGCTTTCGCTGCGGCTCCGCGTCTTCTGCTTAACCTTGCA  
TG

>trans\_c\_8066 DQ341399|Glycine max DMI3 protein mRNA, partial cds

GTGTTAACACACCCATGTGACGGGGGATTATAGATCCAATCCTTTACTAGATATGGAGCGAACGCGTTATGT  
TCGTATATTACCGGAGTTAACGTCACAAAGTAATTATAGTCGATGTCGATGGCTCCTAAACCTTAGAGGCAG  
CTAT

>trans\_c\_8067 AB204872|Phaseolus vulgaris Pvphot1a mRNA for phototropin, complete cds

AATTACAAGAAAGATGGGACCCCTTTTTGGAACCTTCTTACTATTTACCAATCAAAGATGATGATGGCAAAGT  
TCTCAAATTTATTGGAATGCAAGTGGAGGTAAGCAAACACACGGAAGGATTCAAGGATAAGATGCTACGTCC  
CAAT

>trans\_c\_8068 NM\_001057967|Oryza sativa Japonica Group Os03g0775600 (Os03g0775600)  
mRNA, complete cds

AGAGTCTTCTATGTTAGGATCAGTAATTTCCAAGTGGACAACCTTGACGCCCCGAGTTCCTCACACTCAACCATAT  
CCCTCTCAGCCACGATACCCTTTTTGAGGTCAATGGTGTTAGATGTAGTAGTCATCTCAGAAAACTCTCGAGG  
TT

>trans\_c\_8069 Z11512|L.luteus genes for 5S and 18S ribosomal RNA

CCTGCTGAATTTATGCGCTGTCCCATACACGTCACACTGCTGACCATTCCGACCTCGATATGTGAAATCGTCTT  
GCGCCATATGTAAGTGTGAGATTGTTTCGGGAGACATGGTCCAAGCCCGCTGACACCTTGCCGTACAGTGATTGAG  
GCA



>trans\_c\_8070 HM561293|Triticum aestivum isolate e3 cultivar Chara PFT1 gene, partial sequence

GGGAGGCTGTGCTGGTCACTGCTGCTTCTGTTTGCTCTTTAGGATTATGTCAAGTTGTGCTTGCTGTGAGCTTT  
GTGTTGGTAAAAGGGAATGTATGAACGGATGTTGTAAGTATATATACGTATGTGTACGTGGTGTGAGTG  
TGTT

>trans\_c\_8071 XM\_002888329|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase subunit 3,  
mRNA

TCGGTACATCAAAACTCATTGCCACGGATAAAGAAAACTGTTTCAACATCAAAAACAACAAAACTAGAGC  
AAACATGACGCCTGATCGTTGTCATGGGCGTTTTGTCGATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATC  
GCTG

>trans\_c\_8072 FJ144415|Pinus taeda isolate 7217 anonymous locus CL580Contig1\_03 genomic  
sequence

GGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCAGTGAGTCGTAGACTCGTCACCCATGTATGGTAGTCTCGATGATCTAT  
GATGTTATGATCTATGATGTTAATTAACGCAAACGGTGATGGCAAGGGTTCATCACAGCAGTCTGATGCTCAG  
ATGT

>trans\_c\_8073 AB050124|Amaranthus tricolor POR2 mRNA for NADPH-protochlorophyllide  
oxidoreductase 2, partial cds

TTGGTGACCTTAGAGGACTTGCTGGAGGATTAAACGGCCTAAACAGCTCTTCGATGATTGACGGTGGTGAGTT  
TGATGGGGCCAAGGCATACAAGGACAGCAAAGTATGCAACATGCTCACTATGCAAGACAAGGTGTCCGCTAT  
AGTGC

>trans\_c\_8074 AY165782|Polyphysa clavata small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

AATGGATAACTGTGGTAAATCTAGAGCTAATACATGCATCCAGTCTCGCCAGCAATGGTGAGTCGCATTTTATT  
AGACCCAGACTGTAGGGCGCTCTCGGGCGTCTTCATTCAGAGGTGAATCTAGATAACATTCAGCTATCAGCC  
GGA

>trans\_c\_8075 FR696365|Hordeum vulgare mRNA for vacuolar processing enzyme 3 (vpe3 gene)

CAACTGTCACCGGGATTACTAGTATAAAAGTATATGAGACAGTGATCATGGTGGTCCTGGTGTGCTTGGGATG  
CCTACCTATCCTTATATTACGCTGACGATCTTAATGAAGTTCTAAAGAAGAAGCACATCATCAAGCTTCGTGG  
GGA

>trans\_c\_8076 AJ004915|Malus domestica mRNA for phosphoglyceromutase, complete cds

TAATGTTTCAGCCAAAGATGAAGGCTATAGAAATCGCTGAGAAGGCAAGAGATGCAATTCTTAGTCGGAAATT  
CCACCAGGTACGTGTTAACTTACCAAACGGTGACATGGTGGGTCACACTGGTGATATTGAGGCCACACAACAT  
CGAAC

>trans\_c\_8077 GQ845065|Zea mays chromosome 4 PCR sequence AGI.695 genomic sequence

CCTGCAGAACCTGCACCTCCTCAAACCTGAGATGGCAGCAAAACCTAACATTAAACGAACTAAGGAAGAACCCA  
AACCAGTGCCATCTGATACTCTTCCTGCACAGAAAGTTGATAAGGAAGTTAAACACAAAGCTGGAAAGTCCGT  
ACCT

>trans\_c\_8078 XM\_001690412|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TAGTGAATTGGAAGAAGGGAAAGAGCAGTTGGAAGAGAACAAGACTGTCCAAGTTGAAGAAACAAAAGTC  
AATACAGAATCTGGGAGTGAAGTTGGAGAAAAGAGGAAAGTAGTTTGGTGAAGGTCCCGTTTTATATACAC  
CCACATC

>trans\_c\_8079 AJ414385|Pisum sativum mitochondrion cox2 gene for cytochrome oxidase subunit  
II

TCGTATCTTCATCTTTATTCCTACCATCAAAAAATGCCTATTATCTAACCTATTAAGCTTCGCCAAAAGCAAGAC  
GAGGGCGCTCTGCTTCGTAGACAAGGCTCGTCTAGTACTTGACTTACGAGTTCGTGTAGGACTCCCCCTCTCT  
C

>trans\_c\_8080 AY095446|Olea europaea photosystem II protein D1 (PSBA) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

GCGATAATAGGGATACTTCTGCAGCTATCGGTTTGCACTTTTACCCATAAACCCCTTCGACGAAGGCAACTACAA  
ATGGTTATACAACGGTGGTCTTATGAGCTAATTGTTCTACACTTCTTACTTGGTGTAGCATGTTACATGGGTC  
GA

>trans\_c\_8081 NM\_001063392|Oryza sativa Japonica Group Os06g0156900 (Os06g0156900)  
mRNA, complete cds

GCTAATCGCTGGAGACGCACTCCCGGTCATGTCAATCGTGAACCTCCCCCGCTACCAGAGCTTATGGTGGAG  
TTCGCTAGTGTAGCGGCGGCGGAAGTCGCGGGGAGTAGTTCGAAGCGGTATCCGATTGAATCGGAGCCGCC  
GCTCT

>trans\_c\_8082 HM070253|Capsicum annuum isolate WY130066 polygalacturonase inhibiting  
protein mRNA, partial cds

CCGGTGCTGTTCCGGATATTTGGGGAACGTTTCCGGAGTTGAGGATTCTCAGACTTTCACACAATAAACTCACC  
GGCAAAATCCGCGTTCAATTCATCCCTGGCTCCGAAGCTTAGTTATCTAGAGTTAGGGGCACACGGGTGCCC  
AC

>trans\_c\_8083 EU002546|Suriana maritima RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

CGTAGTGTAAGCAGAGGTCTGGTGGTATCAAGATGCCATTGTGTCGGGATATCTTATCCATCTCTCCAGGAAA  
ATGTATATCTCCAGAAAATATTTTGAGTTCAATCCTTTTTTTTTTCTCTTGAGAGACACATCTTTTCTCAGAAT

>trans\_c\_8084 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CCTCCCAAAGTGACCCGCTCTCGGGGGGAAATCGACCATCTTTCGATTGTTAATACGATATATAAGGACCGCT  
ACTACAAATAGTACTACACCCTTGATCGTGAAATATCGATTCCTTGTGAACCCTGTGAATTGCGTGAAAGTAG  
GA

>trans\_c\_8085 Novel Gene

CTTCTTCCATTCTCTCATGCATTGTCATTACAAATCTCATTCTGAATTCCTTCTTGATCTTCTTCATCTTCATTTCTC  
CTTATTTTTTGCTCTCTTTCGAGGGTTTTTCGGTTCATTTCCGTCCAGATTCCACCACCTCCCGTGGTTTT

>trans\_c\_8086 Novel Gene

TCTGGATCTCATCACTCTGGAACGAGCGCAAATGAGCGGAGTTTCTGTCTTAGTGTATACGAGTTCTTGAA  
AGTAAAGGAGCAATAACCAATTTCTTGTTTTCTCAAGAGGATTGGTGGGGCCAGAGCAGTATTGTCATCGCA  
CAC

>trans\_c\_8087 NM\_129823|Arabidopsis thaliana MAX2 (MORE AXILLARY BRANCHES 2); ubiquitin-  
protein ligase (MAX2) mRNA, complete cds

AGCCTATCGCATCCAGCCGAGGGTTGTTAGCAGAATGTCTCACTCTGAGGAAGCTATTTATACACGGAAGT  
CTTATGAACACTTCATGAATTTCTCCTTAACATTCCATATATTCGAGACGTACAACCTTAGGTTGGATTACTACC  
C

>trans\_c\_8088 AJ415386|Betula pendula partial mRNA for cysteine proteinase (cyp2 gene)

AGCTGGTGCATGCGACGCAGGGTGCAACGGGGGACTAATGACTTCAGCTTTGAGTATATTTTGAAAGCAGG  
TGGGTTAGAGAGAGAGGAGGATTATCCTTACACCGGCACGGATCGTGGCTCTTGCAAATCCCGGGGCATACC  
ACGTG

>trans\_c\_8089 AY389581|Hyacinthus orientalis ribosomal protein L19 (RPL19) mRNA, complete cds

CCATATCTTTGTCAATCTTTTTCGACTCCCTATACTTGCGGAGTAATCTCCTCAGAGTGTATGCTTCTCTCATCCA  
GAGGATCTTCGTGGGCAATCTAGCTTCTCTGGTACCACGACGCTTACCGTATCCAGAGTGACGTCCCTTCCTC

>trans\_c\_8090 XM\_002894267|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata photosystem II 5 kD protein, mRNA

AGAAGTATGCTCCATAGTGTGTCACAATGCCTACTGCCCCGATTTTGCCGCAAGTGATTTTGAAGAGATGTATTT  
TTTTCTCTGTTGTCTTTCTTCTTGTCTATTAACCCCTCCCGGGTTGGGACTCAGGGTTCTGGGAGCCAC

>trans\_c\_8091 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GGCTGCTGGGTGGAGAGTATTTGGAAGAGTTGCGTGAATCAAAAATCCAAGGGAGGTTTCATGGCCAAGGGT  
AAAGATGCCCCGAGTAACTGTTATTTGGAATGTACTCGTTGTGTTGAAACGGTGTTACGCCTCCGACCGCTA  
AGCC

>trans\_c\_8092 X69640|G.max ADR11 mRNA

GTTTTTGGCGCACAACAACACTAAAGGGAGCAAGTGTAGCCAGGAGGAGGGTTTTCCCGCAAGTGATAAG  
GAGCTGAAGAGCAATACCTTGTTAGAACTTAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACA  
TCACT

>trans\_c\_8093 XM\_002863257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ORF64c, mRNA

TTCCCCAAGAGCTCACATCGACGGGAAGGTTTGGCACCTCGATGTCGGCTCTTCGCCACCTGGGGCTGTAGT  
ATGTTCCAAGGGTTGGGCTGTTGCCCATTAAGCGGTACGTGAGCTGGGTTCACTGCAGCACTCTGTCAAG  
CCA

>trans\_c\_8094 X62099|E.virginiana plastid ribosomal RNA operon, trnI and trnA pseudogenes

AAGTTGCCAACCGTTGAGACCAAAACAACTCGCAGACTGCCGGTGATAAGCCGGAGGAAGGTGAGGATGA  
CGTCAAGTCATCATGCCCCCTTATGCCCTGGGCGACACACGTGCTACAATGCGGCCCTGTTTGGGTCATCAGTAT  
ACTC

>trans\_c\_8095 AB006081|Fagus crenata mRNA for chlorophyll a/b-binding protein, complete cds

AACCACAAAATACATTCCACCGTTGATCACAAGCCTTATTCCACCACCTCCAACAATGGCTGCTTCTACAATGG  
CTCTTCTCTCCCATCTCTGGCCGGCAAAGCCGTGAACTCTCCCCAATTTTTTCAGGGCCTGAAAGGTCAAG  
G

>trans\_c\_8096 AB197748|Oryza sativa Japonica Group transposon iDart4-1 DNA, complete  
sequence, cultivar: Nipponbare

CCCGATATATTTTTTCTACTTCTTCCTTAATTTCTTCTTTCGCCTACATCTTTTATGTCTATCTATGTTGATTATCT  
CTATAGTGCCAATCTAAGTACGTAGTTTTTTTTTAATTCTTTTCTATATAAAATTATCTTAATATTAATAA

>trans\_c\_8097 Novel Gene

GATAGCTATATTAGGAGTATACTATAATTTCAATAATAAATGGATAATAAATAGTAAAGAACAATTCATTTTGA  
ACAATAGATGTCTTTCACATCCAACCTATAGTAATGAATAATCAATTATAAAAAACATTACCGTCAAGGGGGG  
GA

>trans\_c\_8098 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

CAGGGGTCCATGGTTTTTTTCAAAAAAATGATAAAGTTATATCAGCAAAACAGAAGAGGGTATTTTGATTCTTT  
TGTTTGTTGCTGAGGCGACACCCGGATTTGAACTGGGGAAAAAGGGATTTGCAGTCCCCGCCTTACCGCTCGG  
CC

>trans\_c\_8099 AB451213|Lobocharacium coloradoense chloroplast psaB gene for P700 chlorophyll  
a-apoprotein A2, partial cds, strain: UTEX 2772

TCACACTACTGTTTCTTCTACTGCTGCTGGAGTGGATAGGGAGCAGCCTCAAGCCGGCGGTGGAACCTTCGCCG  
CAGTCTATGTCGTTGCCTCAGCAGCAACAGACTGCTGTGCAGATGCAGCAGACCACTGTGTCTCCACTCAGTC  
CTA

>trans\_c\_8100 DQ535792|Coccinia grandis voucher de Wilde & Duyfjes 22270 (L) ribulose-1,5-  
bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

CCCGCGTGCGAAACAGTGCTTTACCCCTAGCACTCAGTCAACTGCTGGATTACAAAGTATCCATTGCCTCAAAT  
TGTATCCATTGCCTCAAATTCAAATTTGATCTCCTTCATACTTCACAAGCAGCAGCTAGTTCAGGACTCCATTT

>trans\_c\_8101 GQ998087|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

AGCGAGCTACCCCGCTATAGATAAAATAGCTTCGACCTTGTCAACTGATAGTGAGAAAACAAAATCTGGATAA  
ATACCAATACCTATGACAGGTATAAGGATAGAGATCGCAACAAACAACCTCTCGTGGTCCCGAATCAAAAAAT  
AAG

>trans\_c\_8102 X69731|C.laevigatus chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase and promoter region

CCAATAACGAAAAGTATTTGGTGAATAAAATACTATGGTCTAATAACGAACCATCTGATTAGTTGATAATATT  
AGTTGAGAATTTTGTGAAAGGATTCCTATAAAAGGTTTCATTAATACTGGCCTGCACTAGACGAGTTCCACCA  
C

>trans\_c\_8103 AB001583|Solanum melongena mRNA for ribosomal protein L5, partial cds

GCAGATCCAACAGTGAAGAAATCTGACAAGCCACAACCCAAAGCACACAAGAGGTACAACCTGAAGAAGCTG  
ACATACGATGAAAGAAAAGCCCGTTTGGTTGAGCGCTTGAATGCACTTAATACTCTGCAGACTCGTTATCGTCTTC  
ATC

>trans\_c\_8104 Novel Gene

AAATATCCTGAAGTGGAAGCACATTAATAATTTTGAGAGAACTTTTATTTAGAAGTCCTAATGATCCTGTTTCAT  
TTCTAATTATGACGTATGAGTACTACAATTCCTCTTGTCTTTCTAATTGAAATCAACTGTCTCTGTTGTTGGTT

>trans\_c\_8105 Novel Gene

GGGGTTCAACTAGCGGAGACTATGTTTCAGAGCTGGAGTCAGAAGTCCCCAAGTGAGCGTATTATGGGGGACC  
GTCAAGCACATCCGGCAAGGAGAAAGGGGGATTGAGTTCTTGCATAGCTCAGGTCGTAGCAAGGCGCCATAT  
TCATG

>trans\_c\_8106 Novel Gene

GAGAGAGGAGGAGGAGGAGGAGGAGAAAAAGAGATCTGAGGAGGAGGTTGGCAGTGATGATTGATCTGA  
AAGTCTATGGATCAGATATGGAGTTGAGATTGCGACCCTTCGTCAGGCATGGCGACTCGGACTTGTCAGACGT  
GTGAACT

>trans\_c\_8107 GU434316|Solanum lycopersicum alpha-mannosidase mRNA, complete cds

AGTAGCACAGGCAAACATAACTCGAACAAATCATATAATGTGGACAATGGGAACCTGATTTCAAATATCAATAT  
GCACACACCTGGTTCAGGCAGTTGGACAAGCTCATTCATTACGTGAACAAGGATGGCCGTGTGAATGCATACA  
TGA

>trans\_c\_8108 XM\_001692053|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTCATACCCACTTATTCGCGCCACAAAAAGTCTAGGAGAACTACCTGGGAAGGGGGGACGGAGGCGGAGG  
GGCAGAGACAGCTTGAGCCCGCTGTGATCGCGAGGCGGCCCTGGCGCCAAGCCTGGTCCGGAGCTTCAGACT  
GTATGT

>trans\_c\_8109 HQ225758|Camellia sinensis cultivar Longjing 43 auxin-repressed protein (ARP)  
mRNA, complete cds

GAGAAGCGTCTTCAACCCTGGTAGAACTTTGCTACCAAGTGATAACAACCTGAAGTCTTCGACAAGCCTCAA  
CCCAATTCTCCAAGTGTTCGACTGGCTCTACAGCGGTGACACCAAGAGCGAGCACCACACCACATACCAGC  
AAG

>trans\_c\_8110 X77374|B.napus (pRS6/8\_au) mRNA for acetyl CoA carboxylase

CCCCTAAGGTTACAGTGTGAAACAAAATGATTCCACAACGATTAACAAATGGAAGAGCTCAATTTATATTGTC  
ACCTTCCGACACGAGGTTGGTACCAAAAAACCAATCTGCTTTGTAGATGACGTAGCTTTGAGCACTCCAATTT  
CT

>trans\_c\_8111 BT008844|Arabidopsis thaliana At4g26530 mRNA, complete cds

ACTTTCCTCCTGTCCTGTCCTCCAGATAGGAAGACAACCCCTGGGACAGCGGCTGGGACAGTACGACGAAGTG  
CAGCCACCGTATACTCTGCGACTACCTGTGGAGCTACCTTTGGGCTACCGGAGCCAGGGGTGACCATGTTGGG  
CTT

>trans\_c\_8112 EF530204|Betula pendula CBF/DREB1 transcription factor 1 (CBF1) mRNA, complete  
cds

AGACGGCTTTGAGAAGAGGGCCGGCAGGAAGAAGTTTAAGGAGACAAGGCATCCAGTATACAGAGGAGTCA  
GGAGGAGAAACTCCGGCAAGTGGGTCTGTGAAGTGAGAGAGCCCAGCGGAGGACTGGAAGGGGTCTTGG  
TACTTTTC

>trans\_c\_8113 GQ984119|Acanthocalyx albus tRNA-Val (trnV) gene, partial sequence; tRNA-Met  
(trnM) gene, complete sequence; and ATP synthase CF1 epsilon subunit (atpE) gene, partial cds;  
chloroplast

GAATATATTATCAAAATGATTTGAACTGTTTCAAAGACCCAACAACGTAAATGTTGCATTGGGCTCTTTCATTA  
ACTGTTATAAATAAGTTAGTCTACCATATTCAAAGACGCAATGCAAACCGTCCTGATATTACGGCGCCTGGTCA  
T

>trans\_c\_8114 L42853|Pyramimonas parkeae large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

AACACCCAAGCCCGGAGGTGTCAGTGTTACCTGACCTTCACCTGGACATGGGTAGATCACACGGTTTCGGGT  
CTACGACCACATATCGCGTTCGCCCTATTCAGACTCGCTTTCGCTGCGGCTCCGCACTCATCACTTAACCTTGTA  
T

>trans\_c\_8115 FJ935764|Zea mays subsp. mays cultivar LH52 cytosolic orthophosphate dikinase  
gene, complete cds

AGGACAGAATTGAACCGAGTATGATGGTGAGACGAAAGTCAGAGAGTGCAGCACCTCCAACCGGTGGAAGA  
TCGCAGGGAGGAAGTAGAAGGTCGATGCAGCGTAGGCCGTCTAGTAAATCACCCCCCCCCAAAAAGTCTGTT  
TACTAA

>trans\_c\_8116 AL161531|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 31

CACCGGCCGCTCCGCTCTCAAAGTTGAAGCAAACCTCCATGAAGGGGTCCGCAGGGAGTTGAACAACAGGGAT  
CCAGTAACTCACTTGTAATAAATGTGTGGGCATTGGACCAAAGGAACAAGAGCCCCAAGAGCAAGGATCAGA  
GAACG

>trans\_c\_8117 X13914|Wheat signal recognition particle (SRP) 7S RNA variant 2

AGCTCTGTAATGGGAGCTTGTAACCCAAGTGGGGGCACTGAGGTGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCCGTGT  
AGGGCTTTACTGAGATGATTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCAGGGCATCTCATCATGCTTG  
GTTT

>trans\_c\_8118 XM\_002972137|Selaginella moellendorffii alpha-1,2-glucosyltransferase-like protein (GT59A1), mRNA

GAGGACGTGCCCACAAGCTGTAAGTTCTTTACTTGACCGACTACTTGAGGGTACTTCTACCAATTTTGATGTAG  
CATTCTTCTTGGGATCAAATTGTCCATTGATTAAGTGTTGTTATTTCTCCCAAGGAAAATCTTTGCTCCGGGGA

>trans\_c\_8119 NM\_101708|Arabidopsis thaliana MAML-4 (METHYLTHIOALKYLMALATE SYNTHASE-  
LIKE 4); 2-isopropylmalate synthase (MAML-4) mRNA, complete cds

CCAGGTGCTTCCCTCACCACTAAAGAGAAGCTTGACATTGCTCGTCAGCTTGCAAAGCTTGGTGTTGATATCAT  
TGAGGCTGGATTCCCTGCTGCTTCGAAGGAAGACTTTGAGGCAGTCGGAGCAGCCATGGGGAGCGCCATCCA  
CAT

>trans\_c\_8120 AY693650|Ocimum basilicum terpinolene synthase (TES) mRNA, complete cds

ACATAGAGATTATAGCTTTAAGAACAAAAGTAGGTTTAGGAGCCCAACCTGGTTTCATACTGGATGGAGTCCT  
AGCCTAAGCCAATACCGAGTGTTGTTCAACTATGAATTTCAAAGGTTTGACGATAAATACACACTCCTGAGCT  
GA

>trans\_c\_8121 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)  
gene, partial sequence; chloroplast

ACTGAGAGCCGTTGCCTATAGAGCCGAGAGCGTAGCTACTTCTTGC GCGATAAAGGTGTATGAAGTTTCATAT  
TTTATTCTTTAAGCAGAAGCAGGACGATAGAGATTCCATTTAACTTAAGTTGATCTAGGTCAGAAGCATACCTA  
CG

>trans\_c\_8122 NM\_001057626|Oryza sativa Japonica Group Os03g0719000 (Os03g0719000)  
mRNA, partial cds

TCTGAGGATTCATCCCGATTATACATTA AAAATGAGCAATATCCACAGCAAGCATTATCTATCTGGTTGTGGG  
ATCCTGCTTTCTAGCAGCTGAGGAACGAATTTTAGCAGGCGACGCCGCCCCCCTCCTTGAGCCCCTCGCACT

>trans\_c\_8123 NM\_116685|Arabidopsis thaliana PMP22 (PMP22) mRNA, complete cds

AAGAAGGGTTTAAACAAGTATCTTTCCCACTTAATCAGCACCTTTGAGAACCAAGGTAATAACATCTGGAG  
TATTGGTTGCATTGAGCGATGTGACTTCCAGAAGCTTACTGGCATAAGAACTTCAGTTGAAGCGAATTTTA  
C

>trans\_c\_8124 AB050661|Solanum tuberosum StrbohB mRNA for respiratory burst oxidase  
homolog, complete cds

GACGTGGATGTATTTGGCGGTACCGGTATTACTTTACGGTTGTGAGAGATTGATAAGAGCATTTCAGATCAGG  
GATCAAACCAAGTGAAGATTCTTAAGGTAAGTTACTAAATCAACTTACTACTATACTATTACATTTACAAACAAA  
AC

>trans\_c\_8125 NM\_001065613|Oryza sativa Japonica Group Os07g0187900 (Os07g0187900)  
mRNA, partial cds

CGGTATTCGGGGCACTTGTTTCGCTGATTTTGGTGGTTCGTACATGGAAGTTTTATAAGGGCGATATTTACCG  
GAGGTTTCAGGGCGGAGGAAGGTGAAGACATCGAAATGAAAATGGCCGCTCCGACCAACAGTACACCAGTAG  
TGTA

>trans\_c\_8126 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TTTTGACTGATGTTGAAGAATCAGCGGATATAGTTTAGTGGTAAAACCCTAGCCTTCCAAGCTAACGATGCGG  
GTTTCGATTCCCGCTATCCGCTCCAACAATAGGAGAGTTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGCT  
TA

>trans\_c\_8127 EU016718|Acorus americanus NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 2  
(ndhB) gene, partial cds; chloroplast

ATAAGTAGTGACACTTCCGGTTTGGACCTATCCTCCCTAGCCCCTTTTCATCAATGGACTCCTGACGTATACGA  
AGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTCTGTTACTTCGAAAGTAGAGTAGGGCTAAAATCCCCATGCTA

>trans\_c\_8128 XM\_002892101|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase interacting family protein,  
mRNA

TCACACTGGGTCGTGTTGGCAGGAATCTTCTAGATCCTTTGATTTACCTTCAATGCTTCAAGTTCAGCAATTGC  
ATCAGAAAATGAGTTCTCAAGAAGTAAATTCTTTTCTGAGAGTTCCTCCAGGTTTTTAGTTGTAATCAGTAGC

>trans\_c\_8129 AJ429528|Tetramerista sp. Coode 7925 chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Met  
gene and tRNA-Val gene

AAATTAGGAGAAAAGGGAAAAGGTACACGAGGGCTATAGCTCAGTTGGTAGAGCACCTCGTTTACACGCGC  
GCGCCGTGTAACTAGACTTACGCGATTTTCGTTGTATTCCAATTACGTGATGATTCTCCGTGTGAGAGTACTCC  
TGT

>trans\_c\_8130 EU912421|Glycine max serine hydroxymethyltransferase 3 mRNA, complete cds

ACTCTGGAGGGTCGTCTGCTGTGAACATAGCCGTAAAGATCAAAGCAGAAACCAAAGGAACAAAATTGAAGG  
ACTTTCTTACCACAATGGACTCAACTCCTTACTTCCAGTCCGAGATCAGGGGCTCGGGGTGTAGCACCTCTTCG  
CG

>trans\_c\_8131 XM\_002883061|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl hydrolase family 1 protein,  
mRNA

GGATAGAGTTAAGAATTGGATGACGTTTAACGAACCAAGAGTTGTGGCAGCTCTAGGATATGATAATGGTTTT  
TTTGCTCCTGGGAGGTGTTCTAAAGCATACGGAAATTGCACGGCTGGATCGGATGGGACATCCAAGGCGTAA  
CAC

>trans\_c\_8132 AY368673|Triticum turgidum HMW-glutenin locus, complete sequence

CATTTTCTAGAGTTCTGAATCGTCTCGGAGCTGAACAAAAGAAAGGCAAAGAACAAGCAAAGCCGCAGCTAA  
ACCTAGATGAACCGCCTTCATCTTCTAGATCTCAAACCCTAAACTCTATTTTCAGCTTTACAAGATTAGATCCTGA  
T

>trans\_c\_8133 NM\_001055702|Oryza sativa Japonica Group Os03g0180900 (Os03g0180900)  
mRNA, complete cds



TACGAGTACCTTCGCACCTTTCAGCTTGAATCTTGGACTCCTTTCAGTCGAGCCTTGTTCTTCAATCAGATTTTC  
ACCCTTTATTCAAATCAAGGGTCCGGACTAGTTTAATTAGAACTCCTACTCCGCCTCTTCTCAATATTCTTT

>trans\_c\_8134 Y09533|Solanum tuberosum mRNA for protein involved in starch metabolism

ACCTCCTGATGTACTTCCACCAGGTTTCAGTTTCATTGAGCCAGGCAGCTGAAACACAATTCATATTCAATGATG  
ATGGTTCCACCCTAAAGGTCCAATATCTAGAAATCTTAATCGAAGAGGACGGTTTTGTGGGAATGCCATTTGTT

>trans\_c\_8135 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CACCCCATGATAGCCACGGGTGAATTCAATAATAGAGGCCTGTTGGCATTCCAGCCTTCCTTCTCCTTTCAGG  
GCCTACCCCAAAGAGAATCCAGTGTTCCTTGGTCGTGAATATCTGAATAGGACGAACATAAAATGTGTTTGCTT

>trans\_c\_8136 NM\_001059167|Oryza sativa Japonica Group Os04g0388700 (Os04g0388700)  
mRNA, complete cds

GTGGTTATGTTTGTATCCTTCTTACGCCCTTTTAAATCCCGTGACATTGACTTTTAGCTCGGAGACGACAACA  
TATGCTGAGCAAGAGGCACTCCTACCACCCTCTGAGAAAGAGGAACCTGCTAGAACTGAACCAGATGGCGGC  
A

>trans\_c\_8137 X64144|Flaveria pringlei ppcA1 gene for phosphoenolpyruvate carboxylase

AGGGTGTTCTAAATTTCTGCGTCGTGTTGATACTGCTTTGAAAAACATGTTGATTGATGAACGTGTTCTTAT  
AATGCACCACTAATTCAGTTTTATCTTGGATGGGTGGTGATCGCGATGGTAAATTCGCCCACACACCCAGAA  
C

>trans\_c\_8138 M16884|Soybean cytochrome oxidase subunit I gene (COI), complete cds

ATGTCCCTTGAGGGCTTCCGGACTTCCCCACCCCCCTTCCATTCTGCCTTCCCCTCTCATTCCCCCTTTTCAA  
GGTTTATATGGAATTTTCATGACTCCTAAGGGAGCGGTCCGGAGGCTCTTGACTTAATAGGATCTAGTGATC

>trans\_c\_8139 EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA,  
complete cds

CATGAATGCATTATTAGGTGATAGTAGGAAGCTTCATGTGGGGTAGTTCAAATCAAAGTACAAGAAGAGGG  
AAGCTATTGAAGGTGTAATCGACTCGGATCATCAGTCTGTAGATCATGCAGTTGTGGCCGCGAGTGTGCAGCA  
GAA

>trans\_c\_8140 EU379346|Solanum lycopersicum thiamine biosynthesis protein ThiC (thiC) gene,  
complete cds, alternatively spliced

GGGAGCTGATACTGTAATGGACCTCTCTACTGGTCGTCACATACATGAGACCCGTGAGTGGATATTGCGTAAT  
TCATCTGTACCCGTAGGAAGTGTCCCATATATCAGGCACTTGAGAAAGTGAATGGAATAGCTCAGGCTAGGG  
GT

>trans\_c\_8141 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GTCCGTAGGATTGTCTGGCCATCTGAACTTGTAACCCCCAACTTTGCTTCAAGTTTGATCTGTTTTACCGAGA  
AGGTCTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTC

>trans\_c\_8142 FJ910481|Zea mays subsp. mays Mu transposon insertion Mu1008375 flanking sequence

TGCTTCTTTTCCAGAACTCCGAAACAACTGAGTGGTGAAAAGTTTAGTGTCAGTATCAGCCCGGTACGTTA  
GACTCAGTCGAGCAGAAGCAAAGCCAATTACATGTTTCTTTGTCCAACGAGTAGGTAGACGACGGTCTCAGGT  
GG

>trans\_c\_8143 DQ317422|Lithachne humilis KNOTTED1 homeodomain protein (KN1) mRNA, partial cds

AGAGTAGTACAGTTTTGCCGCCACAGAACTGCCTTAAAGAGATATGCAGGAATTGAATGATGAGGTTGTTC  
CCCAATTGAAAGCTCCATTCCATTCACTAGTTCACAAGCGTCATCATCATCCTTCCGACTGGGGCACATCG  
C

>trans\_c\_8144 XM\_002863512|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata chloroplast elongation factor tub, mRNA

CACAATCCACAGGTGGAGAATGCGGTTTGCTATCAGAGAAGGTGGAAAGACTGTTGGTGCTGGTGTGATTCA  
ATCAATTATCGAGTGAGTGATAGGAAGACACAACCTTAATTGTGGAACCAATCGAAATGTTCTTTACTCCTTG  
GC

>trans\_c\_8145 Novel Gene

CAAATACACACACATATAGGACTTTAACTGTTCAACTAAGCACTCTACTCTCAGTTTACTGCTAAATCCACCTTC  
GACCCTTAAGTTTCATAAGGGCTATCGTAGTTTTCTGGGGTAGAAAATGTAGCCCATTTCTTGCCACCTCATG

>trans\_c\_8146 EF207454|Pterostemon rotundifolius inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GTGGGGAAAAATGCGTTTAAGACACCAATATTTGCGTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCGCTTCGTCCTGT  
TTCACGTCGCGTCAGGCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGG

>trans\_c\_8147 EU701065|Ulva fasciata alpha tubulin (TUA) mRNA, complete cds

TCTCTGTGCTCATGGTACGCCTTCTCCGCTGATATCACAGGAGCGTATGATGAAAGCATGAAGTGAATCCTAG  
GGTATGGCACCAGATTTGTCTGGAACCTCAGTAACATCCACGTTCAAGTGCACCATCAAACCTCAGAGATGCAGT  
CA

>trans\_c\_8148 GQ998373|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 clp protease proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

CCCCTGGTTACGCAGGCCAGTGGGGTGCAAGTGCATACGGCTCCACAATGGAATTCATTTTTACCTTCCAGCGA  
AGGAATAGAAAATATAGGATCTAGCAGACCCAGAGCAGTAAATGATCCAATAACCACCCTTCCTTTTGGGCTT  
TT

>trans\_c\_8149 Novel Gene

CAATATGCTAGTTTCAACAACCTCTCGTTCTTTACATTTCTTCCTAGCTGAGACATGCGCCTAAGGATCAAGTCTT  
TGCAACCGAAGTTCGCCGAGGAGCCGAGTGAGGTGCCAGCGCGACTAATTGAGTGCCACGTGCATCTGTGTA  
G

>trans\_c\_8150 DQ629340|Schisandra sphenanthera large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CAAATTCCTTGTTGGCGTTTGC GTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACATTCATATATATGACT  
TCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCAGATCGCTTAGCC

>trans\_c\_8151 X66519|N.sylvestris mitochondrion DNA

CTAATGGGTCATATTTCGATTCTTTCCACAATGCCCATAGACGAAGTGCTTCGTTTCAGATCAATTCTTCGCTGCA  
ATCGCTTCGATCCACCCCCGAGGCGAAAAACCGTAATACGCCCTGAGGAATTCCTACCAGCGGACTTCCCTGT

>trans\_c\_8152 GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TTAGGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTTCCCTCTCGACGATGAAGCTTATCCTTTTAGCAAGACCGTGCC  
GACCTTGACCCCTGTTATTTTGAGATCATATCTAGTATTCAGAGTTTGCTCGATTGGTACCGCTCTCGCGGC

>trans\_c\_8153 GQ997775|Phoradendron serotinum voucher FLAS:M.J. Moore 332 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

CGTTATTCTTGTTGGCGTTTGC GTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAACGTACTATATCT  
CCCTTCCCTCTCGAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCAGATCGCTTAG

>trans\_c\_8154 AY968420|Schizopepon bryoniifolius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTAGATGCGGATTGAGACGGCGGCCTACGCCAGGCCTTTGTTACGCCGTGTTCTGCTCGCCGTACGATCGT  
GGCTGGCAGCGCGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCTGCGCGCTCCTGGCATCGGCCTGTGGGCTCCCCACC  
AA

>trans\_c\_8155 GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TTAGGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTTCCCTCTCGACGATGAAGCTTATCCTGGGCTACCTCACGTGCC  
GACCTTGACCCCTGTTATTTTGAGATCATATCTAGTATTCAGAGTTTGCTCGATTGGTACCGCTCTCGCGGC

>trans\_c\_8156 DQ629356|Myristica fragrans large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

CCAAATTCCTTGTTGGCGTTTGC GTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAAGACGCGCGCGAG  
TTTCTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCAGATCGCTTAGCC

>trans\_c\_8157 NM\_117813|Arabidopsis thaliana CT-BMY (CHLOROPLAST BETA-AMYLASE); beta-amylase (CT-BMY) mRNA, complete cds

CTTGCAAGCATTCTTTACCACCATGGGTGCTTGAAGAAATAAGCAAGAACCCGGATCTCGTTTACACCGACAG  
ATCAGGGAGGAGGAATCCGGAATACATCTCATTGGGATGTGATTCTTTACCTTGAGGCTCTTCTCCACAAA  
AT

>trans\_c\_8158 AM412014|Arabidopsis thaliana partial At5g57655.2 gene for xylose isomerase, ecotype Ei-2

GGGGCAGCAAACATGTATTCTGGGGTGGTCGTGAGGGTTATCAGACTTTACTGAACACTGACATGGGGAGA  
GAGCTTGATCATATGGCTAGGTTTTTCCAAGCTGCCGTTGCCTACAAGAAGAAGATTTTCTTCAAGAGTGGGA  
CCA

>trans\_c\_8159 DQ629282|Selaginella uliginosa large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

AGAGTCCGGTACGCGAAAATCCGACACCTGTCTCGTACTTCATCCCGAGTAGCAGCGGGCTCGTGGAATCTGC  
TGTGAATCTGCCGGGACCACCCGTAAGCCTAAATACTCTCTAGTGACCGATAGCGGATTAGATGGCACTCCC  
TT

>trans\_c\_8160 AF130426|Lycopersicon esculentum cryptochrome 2 gene, complete cds

CAATTCTATCCTGGTCGGGTATCGAGGTGGTGGTTGAAGCAATCCCTTGCCCATTTGAAACAGTCTCTTAAATC  
ACTTGGTGCTGACCTAGTGCTGATGAAAACCTCAGAGTACTATTTTCTCTCTTCTGGAGTGTATCAGCGAGATA

>trans\_c\_8161 DQ371901|Glycine max clock-associated PAS protein ZEITLUPE 2 (ZTL2) mRNA,  
complete cds

AGTTGTGCTATTCGGTGGGGAAGGTGTTAATATGCAACCAATGAACGATACCTTTGTACTAGACTTAAATTCTA  
GTAAACCAGAGTGGCAGCATGTTCAAGTTAGTTCGCCACCTCCTGGTAGATGGGGTCATACTCTTCTGTGT

>trans\_c\_8162 EF568776|Prunus persica beta-galactosidase protein 2 mRNA, complete cds

AAACGTATCGCCGGAACCTCCACCATTGTCAAGTCTAAAGGCAATCCCAGGAACATACTTTAACCACAGG  
AAATCCACCAAGTTCCATTCTGCACAAACATATGGACCAATCCTTAGATGAACATATAAGCCTGCTTGTTGAA

>trans\_c\_8163 XM\_002879115|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata VHA-A1, mRNA

TCACACTCAGGACTTCTTTCCTCGCCCTTCTCTGAAATCCCACCACAAAAACAACCTTCGTTTCCATTTTCCAAC  
ACGGAGAACCACTAGACGTCTAGCGATGGCCTCTCCGTTTGTATGAGCATGGAGCGACCGCGTTATGGC

>trans\_c\_8164 XM\_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

CAAATTATAACCTTTCCGAGATTTAATCGACGATCCTATGCACAAGCATGCTCGCAGGGTTCTTCTATCTATTG  
CAGTTTATGGAAGTTAATTGTAATGCTGGTGTCTTACCTGTGAAGCTTGCTATGAGGATGGTGCCCAGGT

>trans\_c\_8165 AB079499|Nicotiana benthamiana NbrbohB mRNA for respiratory burst oxidase  
homolog, complete cds

CAGCCGAGTTCTAAGTCAATTACTAAGCCAAAACTGAAGCCAACAAACGAAACCAACCCCATCATAAGAACA  
TACGACAAGTTCCTGTACTTTGTAGAAGACAATTGGCAGAGGATTTGGGTTTTACTGCTTTGGCTCGGCATCTA

>trans\_c\_8166 AJ506156|Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

TCATCTCCCCAATGGTGCCGCCACTCGGACTCGAACCGAGATGCTCTAGCACTGCTTCTAAGAGCAGCGTG  
TCTACCGATTTACCATAGCGGCTTTCTCGAAATCATAATAACCTATTATTTCAATCGTCGAGATAGAGCCT

>trans\_c\_8167 X61206|N. plumbaginifolia NeIF-4A3 mRNA for nicotiana eukaryotic translation  
initiation factor 4A

GAAGACAACTGGAATTCGAGACGACGGAGGGGGTTGAGCCGATCTTGACTTTCGATCAGATGGGCATTAAA  
GATGACCTTCTTCGTGGAATATATGCATACGGTTTTGAAAAGCCATCTGCCATTGAGCAGAGAGAGTGTCTTA  
AG

>trans\_c\_8168 AY045772|Brassica napus copper-transporting P-type ATPase mRNA, complete cds

AGAAGGACATCAAGGAAGCAATAGAAGATGCTGGATTGAGGCTGAGATTATACCTGAAACCACTTCAGTTG  
GAAAGAAGTTGCATGGAACACTGGTGGGTCAATTTACCATAGGTGGTATGACGTGTGCAGCATGTGCCTTAA  
ATT

>trans\_c\_8169 BT030388|Arabidopsis thaliana At5g23240 gene, complete cds

CTTGCCCAGTTGACTGCATTTCCATGGTGGAAAGGACAGACTTGGCAGCCTTGGAGTTCTTAATGTCTGAAGCA  
ACCACGTGGGAACGTAAGAGTTGGAATGGGGAACACAGCTGGCGAACGAGTGTACCACGTCCTGTCAAGTGT  
GA

>trans\_c\_8170 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S  
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed  
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

TAACAGGGACAGTCGGGGGCATTCGTATTTTCGTGCCGGCCGGGGGACGGACTGGGAACGGCTCCTTTGGGG  
GCCTTCCCCGGGCGTCGAACATTGGGGGCCTTCCCCGGGCGTCGAACAGTCAACTCAGAACTCTGCACACACC  
TTT

>trans\_c\_8171 AB063191|Cucumis melo CmEIL1 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

TCAGGATACCACCTTAGGTTCTCTTTTATCAGCTCTGATGCAGCACTGTGACCCTCCTCAAAGAAGATTTCCATT  
GGAGAAAGGAGTTCCTCCGCCATGGTGGCCTTCTGGAGCCGAGCTTACTGTTATCTGAGAACTATTGCATCC

>trans\_c\_8172 AY090970|Arabidopsis thaliana At1g74453 mRNA sequence

AGGTAGACAGTTTCTATGGGGAGCCTGATGATTGTTTACAAGAACGGAGATTCGAATGGTGCTTTTTGTTGAA  
GCTTGGCTTTATGTTTGGCTCCAAAAGCGCTGCATGTGACAGATCCTACAAAACCTCAAATGAAGGCTAAGCTT

>trans\_c\_8173 NM\_001123829|Arabidopsis thaliana UBP1B (oligouridylate binding protein 1B);  
mRNA 3'-UTR binding (UBP1B) mRNA, complete cds

TCAAGAGGTTTTTGGTAGTATTGGTCCTGTTGAAGGCTGTAAGCTTGTAAGAAAGGAGAAGTCATCCTATGGA  
TTTATCACTATTTTGATCGCAGATCGGCTGCTATGGCCATTCTTTCACCTAATGGAAGGCATTTGTTTGGGCA

>trans\_c\_8174 Novel Gene

GATGCACAACCCGGCCTAGCGTGCATATACAAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACAAGAAAACCTGTCC  
TTAACGGGATGGTAATTTACATACAGGTGCTGCATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGAGATGTTTGGTCAAGT  
C

>trans\_c\_8175 XM\_002319153|Populus trichocarpa cationic amino acid transporter (PtrCAT2),  
mRNA

AGGATCCATCTCATAATAAGGCACCAGACCAACAATCACAACCTGAGACCATCATATATAGTGACAGCAAAGA  
GATAATGAAAGTCCGATCCCAAGTGGCAAATCTCGTTGAGGATTTTTCACCTCTTCAGCAGTACTCGCAACAGC

>trans\_c\_8176 BT010361|Arabidopsis thaliana At1g63770 mRNA, complete cds

AGTTATGATCTGACAAGGGTCCTGTACCAACTTGAACATGCAGTGACGGTCTATGAGAAGGGTGCTGAAGTC  
GTGAGGATGTACAAGACCTTATTGGGAAGTCAAGGATTTAGAAAAGGCATGGATCTTTACTTTAAGAGACAC  
AGC

>trans\_c\_8177 NM\_100521|Arabidopsis thaliana ATTPS7; alpha,alpha-trehalose-phosphate  
synthase (UDP-forming)/ transferase, transferring glycosyl groups / trehalose-phosphat> (ATTPS7)  
mRNA, complete cds

GCAGATGCACCCACGTGGTCTTCATTGTGAGTGGACGAGGGAGAGACAGCTTAAGCAAGTGGTTTCGTCCA  
TGCAAGAAGCTTGAATTGCAGCAGAACATGGATATTTTAAAGGCAGTCACAAAACGAAGAGTGCTTCTAG  
ACG

>trans\_c\_8178 NM\_001063327|Oryza sativa Japonica Group Os06g0146200 (Os06g0146200)  
mRNA, complete cds

AGAAGAATGAGCAGCACCCTGCATTCACCTCCCCATTTCCGGCCACCTCCTTCTCCGTCGGAATCCTACCGG  
TGGAGTGAGCCTCAAGCCATTTCCCAACATGGGTGAGAGAGACAAGCCCGACTTTGTGGCGCCGGGAGCTTG  
T

>trans\_c\_8179 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

GATGGGGGAAAAATCGGTTATTCTTGTTGGCGTTTGCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTTTCA  
CGGACATTCGTAAGTCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTC

>trans\_c\_8180 Novel Gene

TGGGCTATGATTAGAAAGAGAGAGGCTCGAGTGGGATTCGAAATTGAAATTCCTCTTCCGACTTTTTTCCGAG  
AAAAGCGATCGATAGAGGAGAAGAAGATTGGTTCAAGGTGCCGCGTCTGAGCCGTCGTTAGGGTTGCGTCC  
TC

>trans\_c\_8181 NM\_102542|Arabidopsis thaliana ACA1 (AUTO-INHIBITED CA<sup>2+</sup>-ATPASE 1); calcium  
channel/ calcium-transporting ATPase/ calmodulin binding (ACA1) mRNA, complete cds

GCCCCCTCGAGGATTTTGGCTTTTTGTTTGGGAAGCTCTCCAGGATACGACTCTAATGATACTCGCTTTCTGT  
GCTGTTGTTTCCCTTCTTGTGGCATAGTGATGGAAGGGTGGCCGAAAGGTGCTCACTCGTTAAGGTTACGGT

>trans\_c\_8182 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

TCAAGTCAAAGGAGGTTATTAGTAGCCATCGCGGGTTTCATTACTTTTCTTCATTCTGTCCTCTCATAAGGCA  
AAGGATATCGAATGATCGATTGAGCATTGAGAGCATTCACCCCAAAAGAATCTTATTTGTGGTGAAAAAAGG

>trans\_c\_8183 DQ629356|Myristica fragrans large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

CAAATTCTTGTTGGCGTTTGC GTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAAC TGC GCGCGCTCA  
AAGAGGGAGATAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCAGATCGCTTAGCC

>trans\_c\_8184 AY189971|Gossypium hirsutum xyloglucan endotransglycosylase mRNA, complete  
cds

CATGTAAGGCAACTTGATGGTGGCAGGGGAATTCAACTTGTCTCGACCAAAGCTCTGGTTGTGGGTTTGCTT  
CGAGGCGGCAATACTTGT TTGGAAAAGTGAGCATGAAGATAAACTAGTTCCTGGTGACTCGGTAAAGTGCC  
AC

>trans\_c\_8185 AF403444|Lycopersicon esculentum beta-mannosidase enzyme mRNA, complete  
cds

CAGGTAATGTCACTCTTCCAAAGGGACTACATGATACTACTAGAATCAACTTCTACAAAGGCTATCTGACACAA  
CTCAAGAAGGCAGTTGACGATGGAGCTAACGTTGTTGGATATTTTGCTTGGTCCTTGCTGGACAAC TCGAAA

>trans\_c\_8186 AM711639|Cuscuta gronovii complete chloroplast genome

GCCTGGGGCAAGCGCATCATGAACGTAAAATAAGCAAAAAGAAAAGGAGAAAGAAACAAGTAAAGGCGAG  
GACAAAAGGATCTCTTTCTTCTGAACCAAAAAGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACA  
TCA

>trans\_c\_8187 EF514212|Solanum tuberosum strain P6/210 contig R1, complete sequence

GGTGGACTAGGTCTGTGGAAAAGGATTTCTTGCCCTCTAGAAAGTATTGGGGTCTAGGGTTCTTGATGTGTT  
TCTTGTTTATCTGTTTATTGATTTGATGTTAGTTCCCTTTCGAGTTGTCTTTGAAGTTTATAAATAAATCGTA

>trans\_c\_8188 AB062712|Arnoldiella conchophila gene for 18S ribosomal RNA, partial sequence

TAGCACGGCCTTGAGTGCTCTAGCATGGAATAATAGAACAGGACTCGTTTGGGTCTGGTGAAATGTTTGTTT  
CACGACTACTATGGTCTCCAGTACCTCGAGTAATGATTAAGGGATTGACGGGGGCAGGATATAACGACCC  
GA

>trans\_c\_8189 NM\_001058366|Oryza sativa Japonica Group Os03g0837300 (Os03g0837300)  
mRNA, complete cds

TGAGACCAACCAAAGTGAGTTGGCTGCATTCACTTCCTATGCTTTGGCATTTCATCTGACTTCCTTGCTCTTGT  
GGATACTTATGATGTTATTCGGAGTGGAGTTCCTAACTTCTGTGCAGTTGCTCTGGCACTTAGTGATTTGGG

>trans\_c\_8190 AB428379|Rosa hybrid cultivar RhXTH2 mRNA for xyloglucan  
endotransglucosylase/hydrolase, complete cds

AAAGGCGACAGAGAACAACAATTTACCTTTGGTTTGATCCTACCTCTGATTTCCACACCTATTCAATCCTCTGG  
AATCCCCAAGGAATCATATTCTCGGTAGATGGAACACCGATCAGAGAGTTCAGAGGTTGTAGGCTTCTAAAT

>trans\_c\_8191 AF479134|Bombax ceiba 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AGAGAATTGCTAGATCTCACAATCATTTTGATAATAATAAGTTTGATCTGTTTTACCGAGAAGGTCTACGGTT  
CCGCGGGCGAGTTCTATCGGGTAAAGCCAATGATTAGAGGCATCGGGGGCGCAACGCCCTCGACCTATTCTC  
A

>trans\_c\_8192 DQ536728|Selysia prunifera voucher H. Hentrich FGIC60 (ULM) maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

GATTGGTTACGTAGAAAAAGGAAAATGGATTCTGATTACATACATAAGAATTGTATATCAACGCTGCCCCGAC  
GCCCTTTGCTTTTCCAAATATTTTCCGAATCCGTTTTTTTATATAGAAGTGCGCTTTTTTGGAACTGCCATT

>trans\_c\_8193 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

AGTAACCCAAGATTCTAGGCTTTTATTAAATGAAAGAGAGATCCACCAGGGCAAAAAATGATCACGGAGCCCT  
CCTAAGGAGAGCACTCATCTTGGGGTGGGCTTACTACTTAGATGCTTTCAGCAGTTATCCGCTCCGCACTTGGC

>trans\_c\_8194 AY104005|Zea mays PCO062854 mRNA sequence

AGCTCGTACCTCTCGAACACCTTCCACCTTGTGTTACCATTTAGAGAGACATTTGAAAGAGCATTGCAAGCATA  
AACACGTGGTCTTCTGTAAATAAGTGTGATTTGATTCCTGCTTGGGCACACCCTTTCGTTAGGCCTCACAT

>trans\_c\_8195 EU002522|Melianthus comosus RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds; chloroplast

GAATATCAATCCATTTTTTTCTATTTATTCCAAGACAAGGGTTCCACAATCTCCGAGTCAAAATCAAGGAACTAT  
TCGTACGTTGTTCAATAGAAATAAGGAACGCCAATCTTTGATAAAAAACAGTCGTAGCTTAACAAACGTTTA

>trans\_c\_8196 AY108761|Zea mays PCO105606 mRNA sequence

ATCAAGGACAATTAACCCAACCACAACTGGGCTATGGATGTTGTCACTCAAAGAACTCCTCTTCTCCGTTT  
CCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTTGTTGTTCCCATGGCGCGGAGACGGTCGAGGATTTCTCCGCAACTGT

>trans\_c\_8197 GQ916662|Allium ampeloprasum 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial sequence; chloroplast

TGGCGGAGCACCAATATTTGCGTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACATTCATAGCGCGAGT  
TTCTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCAGATCGCTTAGCC

>trans\_c\_8198 AF206319|Musa acuminata pectate lyase 1 (PL1) mRNA, complete cds

CATGGGTATTTTCATGTGGTGAACAATGACTATACACATTGGGAAATGTACGCCATTGGAGGAAGTGCTGCTC  
CAACCATCAACAGTCAAGGGAACAGATTTGTTGCTCCAAATGACAGATTCAGCACCTCTTGTCACCCCGTGCTC

>trans\_c\_8199 Novel Gene

GGAGGCAGCAGTGGGGAGTCAGATTTTATCTATCAGATGCTAGACTCGTTTGTTTATAATTTAGATGATTTTCC  
GCTCGAAGACCAGCAAGAACTCATGTCTCTTAGCGAGTTTCCAAATAATACTGAGCGATCCAAGTGCCCT

>trans\_c\_8200 AB006081|Fagus crenata mRNA for chlorophyll a/b-binding protein, complete cds

ACCACAAAATACATTCCACCGTTGATCACAAGCCTTATTCCACCACCTCCAACAATGGCTGCTTCTACAATGGCT  
CTTCTCTCCCATCTCTGGCCGGCAAAGCCGTGAACTCTCCCCAATGGGGGACTTTAAGTCCCTTGACCC

>trans\_c\_8201 CP001331|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13, complete sequence

ACGTTGGCGCTCGCTCTCTCGGATGCAGTGCATTCTTGTTACATGATAAGTCCCTCGAAACGTGTTGCCTTTGC  
TCATTGCTCGAACGAATGACGCTCGCTCCCGTATTGCTCCAATGCCACCCAATAAACCGTACGTACGCATAG



>trans\_c\_8202 Y12944|*B.hispidula* rbcl gene

GCGTGACAACACCCACTCTCAGCCCTACCTGTGTTGGATTCAAAGCTGGTGTTAAAGATTATAAATTGACTTAT  
TATACTCCTGAATATGAAACCAAAGATACTGATATCTTGGCAGCATTCCGAGTAACTCCTCAACCGGGAGTTC

>trans\_c\_8203 GQ983594|*Viburnum opulus* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTTTTGGGCAGATAAATGGCCAGATCCTAGACTCGTACAATCCTCGGGAGTCGGAAATGATCGGACGTGGTGT  
CGCGTGGGTGATACACTATGGCGCGGATTTCATCATCGCAAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCT  
T

>trans\_c\_8204 AY342318|*Marchantia polymorpha* 5S ribosomal RNA and 18S ribosomal RNA genes,  
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 2, and 26S  
ribosomal RNA gene, complete sequence

ACAATCACAAATTTTCATGTTGGCCCAAAGTACTAATACTGGAAATTACGATCAAGGATTACTCTATCAACCAAA  
GGGAAAGAGGTGATCTCCGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCAT

>trans\_c\_8205 FJ362596|*Vernicia fordii* 60S ribosomal protein L27A (RPL27A) mRNA, complete cds

CGCCCTAAAAGTTACCCAATAAACCTAAGCCGTAAGGACAACCGCACCACCATTTTCTTTGATCTTCTTCTCTGC  
GATTTTCGAGATGAGCTTGGCTTTCACAACCTGGGGCTGGTTCTCAGGCAAAACCCCTTCAAACCCCTTT

>trans\_c\_8206 X75898|*S.oleracea* pgm mRNA

GTAGTGGTGTCTGTCGATCACGAGGGCAACCCAATCAATGGTGACAACTCATCGCCCTAATGTCGGCCATCGT  
CCTTCGAGAGCACCTGCCACCACCATTTGTCACCGACGCCCCTACACACAACGAGAGTCAAACAAGTAATGG  
T

>trans\_c\_8207 AJ428413|*Calycanthus fertilis* var. *ferax* complete chloroplast genome

GGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCTAGGACACCAGAATATTCCTTCCCACTGGCAGAACACCTGGTAAA  
GAAACCCAATCTTGAGTGAAATAAATACCGCGGCTTCGGTCTTTTTCAATAAAATCATCACGTAGTAAATCAAC

>trans\_c\_8208 XM\_002868414|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* eIF4-gamma/eIF5/eIF2-epsilon  
domain-containing protein, mRNA

GCCAGGTGAAAACATGGGCAGAACTGTTGAATACCTTCTGTAGCACAGGGAACTTGAGCTGGAACCTGATCT  
ACAAAGTTCAGATGCAATGTTATGAGGATGCTAAGTTGATGAAACTTTCCCTGAAATGGTAAACAGAACACG  
CA

>trans\_c\_8209 X57297|*A. majus* TAM1 gene for TNP1 and TNP2

TAGCATCATTTACTGAACCTTTAGCAACTATGTTTACAGAGGTTACCCAATAACAATGCATATAATGTCCCTG  
AAGTTTACGAGAGCACTGTTCACTCAAGGCAACAGAGCCCTGCTTTTATCATCAGGTTACATCTAAGGGCATC

>trans\_c\_8210 EF632158|*Sedum oxacanthum* external transcribed spacer and 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

TTGAACCTTCTCTATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGCTTACGATACGGGGTTCCTAAAG  
ATGAACCCCAAGTCGAGTTGACTACCTGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTCAAAGATTAAGCCA

>trans\_c\_8211 Novel Gene

GATATGGTCTGTCGCTGCACAAAAAGAACTAATACTAAGGCCAAGAAGGGAATATAAACAGGGTTAAGA  
GATGTTATCTCTGAAGGTATGATACAAAAGATATGAAGCCAGGAGAAGTCTAAGAACTAAGAAGCAGCAGCA  
AGA

>trans\_c\_8212 AY839718|Bambusa intermedia internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA  
gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

CCTTCTGGGTAGGGTCTCTTAGGGAAGATTCACTAGCCCCGCCAGTCCAAGTAGGAAGTTGGGCCATTGGCTT  
TGGGCGAAGGCCGAGAGTCAGTTGCCCTCGGAGTGGGGGACACCGCACAGACGACCAGAGTGTCTCACTAG  
TTA

>trans\_c\_8213 EU016994|Musa acuminata ribosomal protein S7 (rps7) gene, partial cds;  
chloroplast

CCAACCATCCGTTACCTGTAGGGGAAGGTGTGTTCTGAAGCGGTCAATGGGAACTTGATGAGTTGATCCGCCTA  
CACGTCTTGCGAAATAGTAGCGGATTTCTGGCAGAACATGCGTGCTTGACGTAAACAGATAGTGGATTGT  
T

>trans\_c\_8214 AM050814|Solanum commersonii mRNA for beta chaperonin 60 (cbn60 gene)

AGGCTGCAGATCAAGACTATGAGAAGGAGAACTTAATGAGAGAATCGCTAACTTTCTGGTGGTGTAGCTG  
TTATACAGGTGGGAGCACAACTGAGACAGAACTCAAGGAAAAGAACTGAGAGTTGAAGATGCTCTTAATG  
CTA

>trans\_c\_8215 Novel Gene

GTATGCCGACACGATGGCCAGCGCAAAGCTACAGTAAAGGTGCACGGGGTCTTTCCGTCTGACCGCAGGAAC  
CCCGCATCTTCACGGGGAATTCAATTTCACTGAGCCTGTGCTGGAGACAGTGGGGAAGTCGTTACGCCATTCTG  
T

>trans\_c\_8216 AF027686|Onobrychis viciifolia glycine-rich protein mRNA, complete cds

AAGAAAATGGCAAAATTGTTTCATGGCTTTGCTCTTGGCTCTTGTGGCCACTCATGCCCTAGCTAGACCTACACC  
AAAGGATGACACGTTCAGTGACCAAAAGAACTTCTGACCTATGGTGGCGTCCCACCGATGAGACCGATCGG

>trans\_c\_8217 Novel Gene

CACGCTAGGGAAGAGGAAAATTGGAAGTATCGAGCTGGTCATATCATACTTGTAATTTTCTTTGAAGGAGC  
TGCCCCAGTTTCCTTGATTTTGTATTTTGGGGACCGGGGGAGCCATAAACTTGTCGCGTAAAGGGA

>trans\_c\_8218 AB467268|Arabidopsis arenosa chloroplast rps16 gene for ribosomal protein S16,  
complete cds

GCAGGGACCAGGAGATTTGAAAAGAATTCTATACATAACTTTGAATTTCTCGAGCCGTACGAGGAGAAAACT  
TCTTATACGGTTCTGGGGGGGGTACTTAAATTTACATCTATCCCAATGAGCCGTTTATCGCCGACCCAGAAT

>trans\_c\_8219 GQ998852|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C RNA polymerase beta' subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

GCGCCGGGTCAATGCACCCAGTAACCCATGTGTGGTATTTAAAACGTCTTCCTAGTTATATCGCGAATCTTTTA  
GATAAACCTCTTAAAGAATTAGAAGGCTTAGTATATTGCGATGTGTGATAACGTACGCCGGGCAAAACGGGC

>trans\_c\_8220 AM262924|Phillyrea latifolia partial mRNA for subunit X of photosystem I (PSI-K)  
precursor (ophe-21 gene)

GAGGGGCGGCGGCGCTCTCAGTGAGATGTGTGGTGATTACATTGGCTCACCTACCAACTGATAATGGTGAT  
ATCGACGAGCCTGATGCTGTTGCTGGGAGGTTGCGATTGGCTCCATCGGCAAACAGGAAATTGGTAATAAA  
AT

>trans\_c\_8221 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

ATGCATAATATCATGGCGAATTCTTCAGAGAAAATTGTGTCTTCTACAATGGAATCTGATAAGTGAGATTCGA  
GTAAGTGTTTACCTAATCTTCTTCTGTCCGAAGAAATGATTCATCGAAGCGGCAGACTGTTGATAGCGAGCT

>trans\_c\_8222 X85038|S.oleracea mRNA for 6.1 kDa polypeptide of photosystem II

CTTCCTGACCGGAAGGTAAACCAAACCTCGCAACAATCTTCTGGTTGGATTCTGTTGGGAGTTTTTGGTCTCA  
TTTGGGCATTTTACATTGTTTACACTTCTACTCTTGAAGAGGATGAAGAATCTGGCTTATCTCTTTAAGCCA

>trans\_c\_8223 XM\_002864634|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lectin protein kinase family protein,  
mRNA

GGTCCAAGCCCACCATAACCACCAACTTCATTCTCCAACACACAGGCAAAAAGCTTCTTCATACCAAAAGGGTG  
AATTGTAAGTGTGAAAGCAAGTCGATTTGAGTCCTTGGCTCCTTGGAAATGCTTCTTTCAAAGCCATCTGA

>trans\_c\_8224 CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

CTCTTTTCATCGACCTTCAAATTAACCAACCAACCCAGTGGCTATGGATGTTGTCACTCAAAGAACTCCTCTTC  
TTCCGTTTCCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTTGTTCGTTCCCATGGCGCGCGAAGTAACTAGACTAAAAG

>trans\_c\_8225 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

AGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAAATCATTTTGATAATAATAAGTTTGATCTGTTTTACCGAGAAG  
GTCTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACTCCT

>trans\_c\_8226 GQ377425|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription  
factor 5 mRNA, complete cds

AAGGGCCGATCGCAAAAGCTAAAACGATCGCCAACCCAAGATTTGACTCACCAGAACTGCAACAGTTTCTCGT  
CGAACAGATGGCCTCTTCATTAACGAAAGATCCCAATTTACGGCGGCCGAACCGGCACGCTAAAGCCCTTTT

>trans\_c\_8227 CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

TCACCTTCAAATTAACCAACCAACCAACCCAGTGGCTATGGATGTTGTTACTCAAAGAACTCCTCTTCTCCGT  
TTCCATGTTGAATCCCAACGCTCCCTTGTTCGTTCCCATGGCGCGCGAGACGGCTAGACTAAACTCCGGTT

>trans\_c\_8228 AY114661|Arabidopsis thaliana cysteine protease component of protease-inhibitor  
complex (At5g43060) mRNA, complete cds

ACAACATGTTGGGAGCTGAGCCTGAAAATCGTTTCCACATCTTCAAGGACAATCTCAAGTACATCGATGAAAT  
CAACGCTCAAAATTTGCCCTACCGATTAGGTTTGAATGTTTTCGCAAGTCTGACGAACAGAACAGCACATAAG

>trans\_c\_8229 Novel Gene

ACGACCAGGTCTGTTGTCCAAGATTGAAAAGGAGGCATGGGACTTGCTTCGAAACTCTGTTGTGTTCTATTGT  
GGACATCTGTTGGAAGTGTGCTGCTAATGACCCAGCTGATGCTCAGAACCTGATAATGCTGGTCCAGAAAC

>trans\_c\_8230 GQ998669|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 7 protein (ndhH) gene, complete cds; chloroplast

CAGAGAACGAGAATTAGTATATGATCTATTCTGAAGCAGCCACCGGTATGAGAATGATGCATAATTTTTTTCGT  
ATCGGGGGAGTCGCGGCTGATCTACCTTATGGATGGATAGATAAATGTTTGGACCCCTTATCGGCGGGGGGT  
C

>trans\_c\_8231 Novel Gene

AGACGACAACCTCAAGGTAGATAGTTACCTATTCTGAAGACAGAATACACATATGCTCAAGAACTTTCATTTCC  
TCCAATAACCAATTTCTTGTTTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTTAAAGAAAAGGAAGGTTGTGTTG

>trans\_c\_8232 EU016687|Yucca schidigera 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial sequence;  
chloroplast

CCATCGACCAGAGGCTGTTACCTTGGAGACCTGATGCGGTTATGAGTACGACCGGGCGTGATGACAACTTCC  
CTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTCGGCAGATCGCTTAGCCCCGTTT

>trans\_c\_8233 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CGCGTGCGAAATTATAGAAGATCTCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTGAT  
AGCATCTACTATACTAGGAATATCAATGAACCCGATTATTGAAATTGCTCAGGATACCTTTTTTAGGGGCT

>trans\_c\_8234 GQ998704|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 RNA polymerase beta  
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

GAATTAGAACGAGGGAGGACGATTCTCTTAGATTCTGAACCCATAGCTGATAATAGAACTAGAATAGATATTTT  
CTGTTTCTACTCACACGAGCCCATATCCTTGCTTTTCGATCAATCTCTAATTCTAATCTTCTCCCAATCA

>trans\_c\_8235 DQ629285|Equisetum hyemale large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

TCAGCAAGGACCACCTTGCAAGGCTAAATACTCCTGGGTGACCGATAGTGAAGTAGTACCGTGAGGGAAGGG  
TGAAAAGAACCCCATCGGGGAGTGAAATAGAACATGAAACCGTAAGCTTCCAAGACTGTTTCTTCTCAACCC  
T

>trans\_c\_8236 XM\_002877473|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-2 (TUB2), mRNA

GGAGGTACGGTTGCACACAAGAGGGAGAATGGACGAGATGGAGTTCACTGAAGCTGAAAGTAACATGAATG  
ATCTTGTTTCTGAGTACCAGCAGTACCAAGACGCCACAGCCGAGAGCAGACGCCGTAGGAGGAGGAGCAGA  
CTGC

>trans\_c\_8237 AY162181|Populus tremuloides cellulose synthase (CesA4) mRNA, complete cds

GTGTGTTGAACACTATACCGACCATATTCATAATAAGGACAGTGGTGGGAGGGATGAGGAGAGAAGTCCATT  
TGAACACATAAAGCTCTGCAAAATCCCCATCGTCATCACTGGCCTTTGACGTGACAGTGAAGTTGGTATCGATT

>trans\_c\_8238 D37958|Malus x domestica atp9 gene for F0-ATPase subunit 9 (complete cds) and  
nad5 gene for NADH dehydrogenase subunit 5 (exon a and b)

GATAGCCTGACCGTAGTGATGTTAATTGTGGTTACATTCATAAGTAGCTTGGTCCATCTTTATTCCATTTTCATAT  
ATGGAAGAGGATCCGCATAGCCCTCGATTATGTCTTATTTATCCATTTTACTTTTTTTATGCTAATGTT

>trans\_c\_8239 XM\_002872788|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AAA-type ATPase family protein,  
mRNA

TCTGCTAATCATCTACTTCGCTTGGATGGTCTGGAGGCGATGATACTGATAAGCTTGCAATTGATGAAGTTTT  
TGAGGTTGTCTCAAATGAGAGTAAAAGCAGCCCACTAATATTGTTTGTCAAAGCACCACCCACTCTGACCCC

>trans\_c\_8240 NM\_001050728|Oryza sativa Japonica Group Os01g0739000 (Os01g0739000)  
mRNA, complete cds

AGAACCTCTTCTATCTGACCTACCCAAAGTACCTGGTGTGAAAGTGCCAGAATCTGCTTATGTTGGAGGGGAT  
TATCGTCGTCAAGCTGACTGTGGGAGCACACATGTTGCCCTGGCGTTTGAGGTTCTGGTGGCTGGGCGCCTA

>trans\_c\_8241 GQ997562|Nelumbo nucifera voucher FLAS:S.B. Davis 1076 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

ACAACGACTCTCGGCAACGAATTACTTTGGTAATGGCAATTGGAATTATATTAACCTCCATTTATTTATTATCTA  
TGTTACGCCAGATGTTCTATGGATACAAGCTTTTAATGCTAAAAATTCTATTTTTTTGATTGGGGGTTG

>trans\_c\_8242 Novel Gene

TACGATCACTTCAATAAGTGCAGGAGAAGTTGCTAGAAGAATTCGAAGTTGGTCTCTCTTTCATAGGTGCAGT  
TAGTCAGGATCGGGGAATAGGAATGAGATCTGGAGTCGTAGCTCTCGGTTCTTTCAGGAAGTAGCCTCATC  
C

>trans\_c\_8243 AJ538781|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT1-M22-007

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCCAGTGCAGCAGGGGGGGTAGTTCGATCGTGGAA  
TTTATTTTTTTTCTGTATTTCCGGAATATGAGTAAAGTGATGATTGGTTTGAAGAACGTCTTGAAATTCAGGCG

>trans\_c\_8244 XM\_002889568|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata oxygen-evolving enhancer protein 2  
(PSBP-1), mRNA

CGGCTGATGCTGCTTATGGAGAAGCTGCCAATGTGTTTGAAAGCCAAAGACCAACACAGATTACTTGCCATA  
CAATGGAGATGGATTCAAGCTTTCAATTCCTTAAGTGAATCCAAGCAAAGAAAAAAGGCCTTTCTCGGAG

>trans\_c\_8245 HM640761|Bulbine semibarbata voucher K Dixon, s.n. (KPBG) 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

AGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGCGTCCAATAGGATTTGAACCTATACCAAAGGTTTAGAAGACCTAT  
GTCAAGAATTTACCTCTGACTATGAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGA

>trans\_c\_8246 GQ983594|Viburnum opulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGTAGATACAATCGGAATCAAATAACAAAAGAAATGAAATTAGATGACGTAATCAAAATATTGCAATAAAA  
AAAACTTCTTATATCACTTACACAAATTGTATTTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTA

>trans\_c\_8247 NM\_121298|Arabidopsis thaliana catalytic (AT5G12950) mRNA, complete cds

ATGACAACCATCCATGTAACCATTTTTAAGGCTTGGGAATTACCAGCAAAAGTATATTGATCCAACAATCCTGC  
CAATATCTTGTGGATGGTGTAAATATGGCGCCCAACAGGTTGAACAGCTTCAACCTAGCTGGGTCTCTCAGA

>trans\_c\_8248 DQ371902|Glycine max circadian clock-associated FKF1 (FKF1) mRNA, complete cds

TTTCTCCAACAAACCGCTTCAAGAGTTGTAAGTTCCTAGCCAAGCGCCCCCAACCGAGTTTCTTTGTCATTTGT  
TCCAATGTTCCAGTCACTTCTCTCCCATGCATTCTGACATACCATCTTCCTTAAATGCTCATTCTTCG

>trans\_c\_8249 Novel Gene

GTTTTTGGGCCACATCACATTTCCGGAAAGACCACCTATTTGTTTCGTTTACCAGGTTTCAGGACGAAATCATAAA  
TAAGCTCTACCAAGGATTGCCAAGCATTGGTACTAAGTTTCCTCCTCCGTTTTAGTAACAAAATGAAGC

>trans\_c\_8250 AF072271|Lactuca sativa resistance protein candidate RGC2J (RGC2J) gene,  
complete cds

TTCGCGAGATTAGAGATACGATTCTATACTACAACCTAATCATTTTCCAGACTCTTCCAAGATTATGTTGGTAGA  
GACGATGTTTGAGGTTTGAGGGAACAAAGGGAATAATGGAAGAGGGCCCCTGTCCTTGGGAGAGTCACTT

>trans\_c\_8251 AF244556|Huperzia lucidula 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast  
gene for chloroplast product

TTGTGTGACACCCACCTTCTCCAGTTTATCACTGGCAGTCTCCTTTGAGTTCCCGGCCCAAATTGGGGCAAC  
TAAACACGAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCAACACCTTACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGC

>trans\_c\_8252 AF169795|Juglans nigra glutamine synthetase precursor (pGS) mRNA, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

CGTCCACAGTCGAGGACCATATCAAAGCCTGTGGAACATCCATCTGAGCTACCCAAGTGGAACATATGATGGAT  
CTAGTACTGGGCAAGCACCTGGGGAAGACAGTGAAGTCATTCTCTATCCTCAAGCACGGGGACCTTCGAAAG

>trans\_c\_8253 EU161362|Illicium verum 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACCCCTAAGGGCACAACAGTGATGTATGTGTGATCAGATGTATGGATTAAACGAAAGAGGAGGTGATGATGG  
CCGTGACCACGGCTGAATGTTTACAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTAATTGGTCC

>trans\_c\_8254 AF429985|Lycopersicon esculentum arabinosidase ARA-1 mRNA, complete cds

CCAAGATCAGGTAGATACATCCGATATCTCACCATTGTACAGGAAGCCCTTGACAGTATTGAGTTTGCAAGA  
GGAGATTCTAGTTCTACTTGGGGCTCCATTCGGGCTTCAATGGGACATCCAGAACCTTTTGACCCGGGACGT

>trans\_c\_8255 AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

AGAGGCTGCTGTACGCCAAGGCGTGGTGCCTCAATAGGATTTGAACCTATACCAAAGGTTTAGAAGACCT  
ATGTCCTATCCATTAGACAATGGACGCAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCACTACTCCGATCC

>trans\_c\_8256 XM\_002875277|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AGTCGAGGAAGAAGGGAGCGAGGGCATAGAAGAAACCGAGGAAGAAAAGAGAATGAGAGTAAGAAAGGA  
GCTTGAAAAGGTAGCTAAAGAACAGGCGGAACGAAGAGCAACGGCTCAGTTGATGTTTGAATTGGGTCAGA  
AGATC

>trans\_c\_8257 FJ038254|Gurania sp. MAG-2009 voucher BR2459 RNA polymerase beta subunit  
(rpoB) gene, partial cds; chloroplast

AGCGAGCGTTTGATATATGAAGATATTTATACTTCTTTCCACATACGGAAATATGAAATTCAAACCTCATGTGAC  
AAGCCACGGACCTGAAAGAATCACTAACGAAATACCACATCTAGAAGCCCCTTACTCTGTAATTTAGACA

>trans\_c\_8258 DQ415919|Cleome spinosa arginine decarboxylase copy B gene, partial cds

CAAACACTCTGGACATTTTGGGTCTACCTCTGGCGAGAAAGGGAAGTTTGGTCTTACGACTACCCAGATTCTTC  
GGGTGGTTCGGAAGCTTGAACAGGCTGATATGCTTGATTGCCTTCAATTGCTACATTTTCACATTGGATCC

>trans\_c\_8259 NM\_118031|Arabidopsis thaliana ERD3 (early-responsive to dehydration 3) (ERD3)  
mRNA, complete cds

ACAGTCCATTACGCAGTTGTGTCATTGCTCCCAACCCAAAACCTGAAGAGGACAAGTTTGATGGCCGTCCCTAA  
ATGGCCAGATCGTTTGCACACCTCACCGGAACGTGTTTCAGATGTTTATGGTGGGAGTACTGGCACTTTCAA

>trans\_c\_8260 GQ998221|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 ATP synthase CF1  
alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

AGTGTGTTGTTTCTGTACATAAAATATTCAGCCAAAGCTGCTCCTGTATAAGGGGCAAGGTATTGTAATGTA  
GCCGGAGAATCTGCCGTTTCGGCTACTATAATAGTGTATTCCATTGCGCCCCTTCTCTGTAAAGTAGTCACT

>trans\_c\_8261 DQ008658|Schisandra sphenanthera 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCCGTAAACTATCCCGATAGAACCCTACTCTGCAAGCTGGGCCAACCTCCAACCACATATTGTAAAAATGGGG  
TTGAATTTCTTCACTTTGACATTACAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATC

>trans\_c\_8262 NM\_001050069|Oryza sativa Japonica Group Os01g0607900 (Os01g0607900)  
mRNA, complete cds

TGAGGGACGACTTCTCAGTCTTCTTCTATCTCGTTCTACAACCTCAGTCGACTCAATTTATCTTTCTTTCCA  
GTCTAGGCTTTTTTCTTAGAGCTGAGCATAGTCAGATTGATAATAGCTAAAAAGAGAGTAAGAAAGTCG

>trans\_c\_8263 GQ997208|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 23S ribosomal RNA (rrn23)  
gene, complete sequence; chloroplast

CGAGAGACGAGGAAGGGCGTAGTAAGCGACGAAATGCTTCGGGGAGTTGCAAATAAATACGGATCCGGAG  
ATTCCCGAATAGGTCAACCTTTCAAACCTGCTGCTGAATCCATGGGCAGGCAAGAGACAACCTGGCGAACTGAA  
AC

>trans\_c\_8264 AJ844005|Plantago major partial mRNA for cysteine protease 1 (cpr1 gene)

CAAGAACATGTGTGGTGTGCAACTTGTGCTTCATACCCATTGTTGCTTAGAGTACGAGAATGGCAAAGCTT  
CTTTAAGGTACGGTTATGGTGGATAGAATGATGTGCAACGGCCCTCGCACGCGTGTGTAGTTGATCACCCG

>trans\_c\_8265 Novel Gene

ACCGCGTAGTGGGAGAATGAAGATCGAATTCAAGTCTCAGTCTGATTATGTTCCGGTCCGTGGTAGTTTCATT  
TCTTTCTCGTAAACACGGTAAAGCTGCTTCGCTCCTCTCGATCGATTGATCGGAATAGCTCCCCAGTCTAT

>trans\_c\_8266 AB052228|Cucumis melo var. reticulatus Cm-ETR1 mRNA for ethylene receptor,  
complete cds

TTGCTCTTGATCTTGCCAGGAGAGAAGCAGAAACGGCAATACGAGCCCGGAATGATTTCTTGGCTGTCATGAA  
CCATGAGATGAGAACTCCAATGCATGCGATTATTGCCCTCTCTTCATTATATGTTCTCTGTGAACCCGTGTT

>trans\_c\_8267 NM\_102391|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol 3- and 4-kinase family  
protein (AT1G26270) mRNA, complete cds

AACTACGGGTAACCCATACCATCTGCGGTGCTCGGGCAGAGGCAGAGGCAGAGACTTGGTACTTCTTGCCAG  
TTTTGAGATGATGAGGTTCAATTCAGTGTGTTGCTGTGATAGAGCATTATAGTATAATATATTATCTGCGCCA

>trans\_c\_8268 EF207450|Myriophyllum spicatum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TATATCCAATCATGTGGTACTTCATTGTACCATATATATAAGATCCATATGTATAGATATCATCATCTACATCCA  
GAAAGCCGTATGCTTTGGAAGAAGCTTGACAGTTTGGGAAGGGGGGGTGGTTCGACAAAAGTTCTTCT

>trans\_c\_8269 AF369791|Phaseolus vulgaris bZIP transcription factor 3 mRNA, complete cds

TAGTATCAGAACGCCCAAAGTTGAAATTACTTCCAAGATCAAAGCCATTGGCTGGTTTAGAACCCAATACAGT  
TGATCATACGCAGATGATTTCCCGATGCTGTTTCTGCTGACAATGTTCCGTTTTACATACCCCGGTGGTGTA

>trans\_c\_8270 NM\_115859|Arabidopsis thaliana ASHH4 (HISTONE-LYSINE N-METHYLTRANSFERASE  
ASHH4); histone-lysine N-methyltransferase (ASHH4) mRNA, complete cds

GACAAGTTTATTGACCTAGACCCCAAAGGGAATTATTCCACAGGTGCTGTTGATCATAGGTTCAACCCAGCAG  
GTGCATCCGAGGGAGTGTTTATTAATACTATGCTCCACAGCTCGGAAAGAAAATATATATGTCTAGCGATCACA

>trans\_c\_8271 BT029218|Arabidopsis thaliana At1g13710 mRNA, complete cds

AAGATGCAGAGAAATTTGATCCAAACAGATTCATGGAAGAAGAAGTTAGTGTTATGGGAAGTGATTTGAGAT  
TGGCCCCATTTGGGGCAGGGAGAAGAGTTTGTCTGGAAAAGCAATGGGATTGGCTACTGTCCATCTCTGGT  
T

>trans\_c\_8272 XM\_002886707|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alpha-1 tubulin (TUA1), mRNA

CAGCATGTTCTAGAGCAATATTTTGTGGATCTGGAACCAACTGTTATCGATGAAGTAAGGACTGGGACATAC  
CGACAGCTTTTCCATCCGGAACAGCTCATATCTGGTAAAGAAGATGCTGCAGACGGAAACTAAGAGGTACG

>trans\_c\_8273 DQ231249|Crocus sativus PISTILLATA-like MADS box protein (PIB) mRNA, complete  
cds

CCGTTGATTCTTCATTCTCCATTACCGGAATCCTTCTTCGGCGGTAACGATTCAGAAGAAAATCCTCTCACCATA  
CGCATGGCTTGTTGATTCTAGTCCTTCTCTCAAAGCTCTCGCTACCCTACTCTAGAGCAACATCATATA

>trans\_c\_8274 NM\_125403|Arabidopsis thaliana APRR3 (ARABIDOPSIS PSEUDO-RESPONSE  
REGULATOR 3); transcription regulator/ two-component response regulator (APRR3) mRNA,  
complete cds



GAGGCTGTTCTTGACCTGCCGTTGAGGCTGCAGCTAAATCAATCCATAGAAGTTTACTGGCCGTTGTTGTTTC  
AGATCTAATCTGATCTTCATCGACGAATCTGCTTACCGAACTTCTTACATTTAAGGGATCTAAAGAAGAAC

>trans\_c\_8275 EF621405|Muriella zofingiensis chloroplast phytoene desaturase (pds) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TGCCGTTATGAAATGGGGTATGAACCTGCAGCATATGGAGTAGTCTCTATGTGCGCAGCGTAGCCTGCCTTGA  
GTGGTGTGTTGAGGGGATTATAGCATGAATGTCAGTTCATCTTCAGGCAATTGTGTCTTGTAGTCGTATGCC

>trans\_c\_8276 NM\_104990|Arabidopsis thaliana ATRBL2 (Arabidopsis thaliana Rhomboid-like 2);  
serine-type endopeptidase (ATRBL2) mRNA, complete cds

GGTTGGCAGCTGCAATTGTACTAGTTGCTGGCTTTACCCTGGGCCTGGTGATGCTATTCAGAGGTGAGAATGG  
AAACAAGCACTGCAGCTGGTGCCATTACCTGAGTTGTGTGCCAACCTCACTCGTTTCAGTATAGCGCCGGAC

>trans\_c\_8277 EF690284|Citrus sinensis cysteine protease Cp mRNA, complete cds

GGTGTTCCGGTGTACTTGTAGGGGCCACCAGGGTTAGTACAATGGTGGACTGCCTTCCCAAGCTTTTGAGTACA  
TTAAGTACAATGGTGGCCTTGACACTGAAGCAGCATATCCTTAACTGGAAAAGACGGCAAATGCAATAAGC

>trans\_c\_8278 Z46740|L.esculentum gene for 7S signal recognition particle RNA (713 bp)

GCCGAGCTTTGTAATGGGAGCTTGTAACCCAAATGGGGGCATTGAAGTGGTTGAAGGTTTGGTTCGTTCCACC  
GTGTAGGGCTTTACTGAGATGATATCTGGCCTGCCCGTTTCTACTGGTTTCTCGTTTAAGGGCAAAGACGAG

>trans\_c\_8279 AY942801|Cucumis sativus male-specific 10-2 (M10-2) mRNA, complete sequence

GGGCCCTCCCGCGGGGAGCGAGGAGAATACGATCTCTCGGATTTGCTGCTACCTTGAGTGGTTTTTGGCAGTT  
ACCTTATGTAATTTTCATCAAGGGAAGGTTGATTTGATTAGAGTATTGTCGTGTCGTGTATCTTATCACTCA

>trans\_c\_8280 AB012639|Nicotiana sylvestris Lhcb1\*7 gene for light harvesting chlorophyll a/b-  
binding protein, complete cds

ACACTTCATTTCATACCCATTACAACCTCTTTCTGAATCATTCCAATGGCTGCCTCTACAATGGCTCTTTCTTCTC  
CATCTCTGGCCGGCAAGGCCGTGAAGCTCTCCCCCAATGGGGGACTTTAAGTCCCTTGACCTTCTTAG

>trans\_c\_8281 AY260008|Alangium chinense 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CGATTCTCTGTGTGCCACCAGACAAGATAATCCGACCAGCTAAAATCCCCGTTATGGCGCTGAAGCGCGCGAC  
CTATACCCGGCCGTCGGGGCAAGAGCCAGGCCCGCGCTGCTTCTTTATATTATTGGCGCATGGGGTTTT

>trans\_c\_8282 AB548360|Torenia fournieri TfCAB3 mRNA for chlorophyll a/b binding protein-like  
protein, partial cds and 3'UTR, complete sequence

AAACTGACTGAGTCCCAGGTTTTTCGTACAGGCCATTGTAACAGGAAAAGGTCCTTTGGAGAACCTTGCAGAC  
CATCTTGCTGATCCTGTCAACAACAATGCATGGGCTTATGCTACCAACTTTGTACCTGCTTTCACTTGCCG

>trans\_c\_8283 AY094062|Citrus reticulata R1 mRNA, complete cds

GAGCTAGCTGCGAAGTTCAAACCTGGATGAGAATATTGAACTGCAGGTTGATGTTAGTGCCCCTACTTCAGGTT  
CCATTAGACATGTAAATATCCTGGTCACAAACATTAGTGGCTCGCTTCTTCTTCATTGGGGTGCAATACGT

>trans\_c\_8284 XM\_002885411|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein phosphatase 2A B, mRNA

CTCGGTGTCCACAGAAACAGAGCTCTTTCAGCAACCTGAAAATGCGAGCTATTGAGGCAACGTGCTATCTGTC  
TAAAAAGAGGAACCATACAGCGCTGAAACTCTGCTGATTGTGTAGCCTCAAGTACTTCTCAAGTTCTCCT

>trans\_c\_8285 NM\_180062|Arabidopsis thaliana INT1 (INOSITOL TRANSPORTER 1); carbohydrate  
transmembrane transporter/ myo-inositol:hydrogen symporter/ sugar:hydrogen symport> (INT1)  
mRNA, complete cds

TTGGTTTTGTTCTTGTATTTCACCTGGGTTCTTAGAACCTCGACTGTACTTGTTAACCATGACACTCGCGCTTGA  
ATCGCTGCCTGGAAGTTCTGGGTATTTGGATATTTATCCTGAGAGGAAAATGTATTATTTTAAGAATCC

>trans\_c\_8286 NM\_116044|Arabidopsis thaliana seven in absentia (SINA) family protein  
(AT3G61790) mRNA, complete cds

TTCTTTGTCCCCACCAGAGAAGAAAAGAGCCATATTTCTTGAATGATTAGTCCATCATGGCTGTCCCTCACT  
TTTCGATGACTATCTCTAATACTTCGTGGTGTACCCTCCCATATCAGTTTTCGCCCATATCCACCAACCT

>trans\_c\_8287 NM\_117844|Arabidopsis thaliana zinc ion binding (AT4G17410) mRNA, complete  
cds

GGAGATGAGTAGAGAAACAACGGAGGTTTCTATTTCTGAACCGCCGGACCTTACTCTTAGGCTCTCTCTTGGT  
GGAATTTATTGTGGAAAGTCGAAGGACAATTCGTTAGCCCGATCGTCTTCTGTTATTGGAGTGATTTCTCA

>trans\_c\_8288 NM\_001187227|Oryza sativa Japonica Group Os04g0688000 (Os04g0688000)  
mRNA, complete cds

CAATTCCTCACTTTCCACCCATTTTCGATCTCTTCTTCTGTTTCATGTTACAATGCCTGCCACTGATTTTCAAGGTT  
CTTCCTCGCCGTTAACCAACATTGGCCGTTCCATCTTCAGTCTCCGCCGCGATCAAGTTCATTCCAT

>trans\_c\_8289 XM\_002886329|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATMYB103, mRNA

AAGTCTGAGGCGCAAACAACAGCGCGCTGAAGCAACTACTGGAATTGCCCTGTGTGTAAGTGTACGACGAAC  
GAGACCTTTAGATACAATCGTCACCGTCCCCTAGTCACCACGCCTTCGTCGAATTCCTTTAAGTTTCAGCCT

>trans\_c\_8290 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

CTGCCAAGACCGCTCGTATTATTAGTCTAGGGTTTATCTTTTAAGCATAGGTATTCTTTCAGGGGCAGTATGG  
GCTAATGAGACATGGGGATCGTATTGGAATTGGGACCCAAAGGAAACTTGGGCAAATAATGAACCCATT

>trans\_c\_8291 AB126832|Phaseolus vulgaris pvss1 mRNA for starch synthase I precursor, complete  
cds

ATCCGCCATTGCAGCTCCTCCAAACAAAGCTTTCTCCATCCATGGCTGCCTCCGCCGAGATGGCTCTCGTCAAG  
CCCATTTCAAAGTTCTGCTGTAGAACTCTCGAATTCGGAATCCCTAGACACCTCTACCCCTTAAGAGAA

>trans\_c\_8292 CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

TGTTATACAGAGCAGCGTTACCCCCGCTTCTGTGCGGTGAAAAGAGCGGTAAATTAACCTTTTTGGGCCCAAT  
AATACCCGATGGGTAGGCCTCTGTCTAACAACCACCATTTTTTCGGGGTCTTGGGGGAACCCACCGGAGC

>trans\_c\_8293 AL161591|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 87

CCCGCACCTGGGGTTCTCACCTCCGATCGAGAGTGTGTTTATGAATAATGTCTATTTCTGTTTTTCATTACAGT  
CATGTAATGTTGGTCACTTGTGTCCATGGAGTTAATGGATAAGTTATACTAGTACACTCTCTATTCTCT

>trans\_c\_8294 X70783|C.nucifera organelle 16S rRNA gene

ACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCACCACCTGTGTCCGCGTTCCCGAAGGCACCAAAGCATCTCTGGAAA  
GTTCTCTGGATGTCAAGGACAGGTAAGGTTCTTCGCGTTGCATCGAATTAAACCACATGCTCCACCGCTTGT

>trans\_c\_8295 AF479231|Dipsacus sativus 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGCACGCTCTATAGGATTGAACCTACGACATCGGGTTTTTCTCAAATATCAG  
AGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTTTCTCTATC

>trans\_c\_8296 EU908574|Solanum lycopersicum glucan water dikinase (GWD) mRNA, complete cds

CCCCCGCCTGTTTTCATCCCAAGACCGGGTTAGGGTAGAATTGGAACCAGATTTCAGAAAGGGAGTTCTAAGA  
GCTCTGTTCTTATATACTTGAGTTCCATCTGGGCAACGTGATGGAAGCGCCCATGTATCTTTTCTATCACG

>trans\_c\_8297 GQ504457|Ficus insipida isolate Fsp040 ATP synthase CF1 alpha subunit (atpA)  
gene, partial cds; and ATP synthase CF0 subunit I-like (atpF) gene, partial sequence; chloroplast

GTTGTTTGGACAACGAGTTACATTTACGTACCATCAGTGCTAATATTGGCATGTTTGGGACGATGAAAGAAAT  
AACTAACTGATTAGTCCTTCTACTGTAGGCATTATTTTTTTTTCTTAATCAAGAACGAAACAACCCCCGCT

>trans\_c\_8298 GQ340733|Gossypium hirsutum isolate 3 pectate lyase (Pel) gene, complete cds

GCCGGTGGGCCTTGCAATTACGATTACGTACGTGACGAACATTATAATCCATGGTCTCAACATTCACGACTGTAA  
ACCAGGGGGGAAACACAGATGTGAGAGATTCCCCTCGACATTTTTTTCGGACTCCAACGCGATCTGCCACTG

>trans\_c\_8299 XM\_002878302|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S13, mRNA

AAGACCAAGAAGCTCCACCTGTTTGGAAATACGAGTCAACTACTGCTAGCACACTTGTTGCTTGATTTGTCA  
ACTGATGGATTTATGGGCGATTAAGATCTTTTCACTTACTCTATTTCGATGTAAGGGCGGGAAATTGTGTT

>trans\_c\_8300 Novel Gene

CCGTGGTTACGGTGGTGGTGGTGGTTATGGCGGTGGACGTGACAACAGGGGAGGTGGTGGCGGTGGATCTG  
AAGGTGGATGGAGAAATTAGACGGGGGATTATGATTTTTTTTTAGCTTTTTTAGGATCCCGCGGCTGTGTCGT

>trans\_c\_8301 NM\_125181|Arabidopsis thaliana GTP-binding family protein (AT5G57960) mRNA,  
complete cds

GTCCTTTGGAATTGATGAAACATCCAATTCTGAAAGAACTTTATCCACGGCCTCTATCTGTTGCTCTGCCAGCG  
GATGGCTGATGTCCACCACATGAACCAGTAATGACGATTCTGATATCTCCTCCAATGTTGCTCTGAATGC

>trans\_c\_8302 AF223066|Humulus lupulus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence; 18S  
ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, internal transcribed  
spacer 2 and 26S ribosomal RNA gene, complete sequence; and 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

ACAAAGTCTTTGGGGTCCCGGGGGGAGTATGGTCGCAAGGCTGAACTTAAAGGAATTGACGGAACCCACAC  
CATCTCATTATGAAAGACGAACAACTGCGAAAGCATTTGCCAAGGATGTTTTCATTAATCAAGAACGAAA

>trans\_c\_8303 AF168846|Globba curtissii 18S small subunit ribosomal RNA gene, complete  
sequence

CAAAAAAACCCAAAATTTGCTGAATAATTAAATAAGTTTTATCTTTTCTCCACCTTCAGAAGAATAAAGCATA  
GGCATTCCCCCGGAACCCAAAGACTTTGATTTCTCATAAGGTGCTGGCGGAGTCCTAAAGCAACATC

>trans\_c\_8304 X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

AAAGAGCACCCCAGGTTTAAGAGAAAGGGTGATGACCTCTTCGTGGAGCATACCTTGTCTCTCGTCGAGTCTC  
TTTGTGGTTTCCAATTTATTCTGACTCATTTGGATGGCCGACAGCTACTCATGTTTAGTGAAGGGCCGCTT

>trans\_c\_8305 DQ787077|Glycine max bZIP transcription factor bZIP67 (bZIP67) mRNA, partial cds

TCCTTTTCTTTCTCTCCTTTGGTGTTGGTGGGAAGATGATGAGAGAAAAGTTCTACTTGTAAATGCCTTTGCTTT  
CTACTTCCATATCAAAAACCAATTTCAATGTATTATATTCTCCTTTCTCAATAACATTATTTAGTGTA

>trans\_c\_8306 AF374993|Sauteria alpina isolate SauC1D2 26S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GTGTGTTTTGTGTGTACGGGACTATCACCTGTACCGTCGGACTTTCCAGACCGTTCCACTAACACACAAGCTG  
ATTGAGACTCTGGGCTGCTCCCCGTTGCTCGCCGCTACTGGGGGAATCTCGGTTGATTTCTTTCTCTCG

>trans\_c\_8307 HM772000|Scleropodium touretii isolate OR\_Mar159 photosystem II 32kDa protein  
(psbA) gene, partial cds; chloroplast

ATTTCTTCCTAGCTGCTTGGCCTGTAGTAGGTATCTGGTTCACCGCTTTAGGTAAAAAGATCCCATATTTGTCC  
ATACCTTCGATATTAACATTTGGCTTTAGTTTAGATACCTTCGTAACCAAATATGTAAGGAGAATCAGA

>trans\_c\_8308 NM\_117413|Arabidopsis thaliana proline-rich extensin-like family protein  
(AT4G13390) mRNA, complete cds

CGGGTCACTTATAGCGAATAAGACCACAAATAGCCACCACCATATGTTAGCCAAATGCGTGATTACCCCTAGA  
AATATGACCTCGAGAAAAAGATAATAAAGAAAGACGCTATAGAAATTATCGCCCAACCAATGTAGCGTGTT

>trans\_c\_8309 AY371292|Mesembryanthemum crystallinum early flowering 3 (ELF3) mRNA,  
complete cds

TACGAACAGTTCACTGTGCCATCCAAACGTTCTAGTCCCGGGGTTCTGCCTCTCAAGACAAACATCTCCAGTAA  
ACCAGTTGCCATACCATCCTCAAGCCAGGGTACAGGAGCCGATGGAAATCTGCGCCTGCCATTAAATCTG

>trans\_c\_8310 DQ008647|Croomia pauciflora 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCGTCCTGCTGTCTTAATCGACCAACACCCTTTGTGGGATCTAGGTTAGCGCGTACCTAACACGCGCCAAATTT  
TTCCGGTTTATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGGAGCTCTCGATTCCGTGGT

>trans\_c\_8311 X68256|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 6

AAGCTAAGCGGTGTTGAAGCGCGGTGTTTCGTATTTCAATTTCTTCTTCCAAGTCAAGCCCTTCTTAGCTTAGA  
AAGCACTCGCTGAGTTACTTACGGAATCTCAAATCTCTCTCGACGCCGAGGGATAGTAGACAGGGACAGT

>trans\_c\_8312 XM\_002867291|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle receptor  
alpha subunit family protein, mRNA

AAAAGAACAAAAGAAGCCTTATGTGGTAGTGTTCGTTGGAGTCAATGGAGTTGGAAAATCAACTAATCTTGCC  
AAGGTGGCCTATTGGCTTCTGCAGCATAAAGTTAGCGTCATGATGGCTGCTTGTGATACATAATCTTCTGG

>trans\_c\_8313 GU724244|Achillea wilsoniana voucher PS0715MT03 ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

GAGAGAACCATACGCCCCGTCAAGTAATGTCCTTTGATTTACCTGTTTCAGCCTGTGATTTAAAAATAGCTTCC  
GCACAAAATAGGAAACGGTCTCTCCAACGCATAAATGGTTGGGAATTCACGTTTTTCATCATCTTTGGTAA

>trans\_c\_8314 AM777385|Lolium perenne complete chloroplast genome

GAGGGAAAGGTGAAAAGAACCCCCAGTGGGTAGTGAAATAGAACGTGAAACCGTGCTGAGCTCCCAAGCAG  
TGGGAGGGGAAAGTGATCTCTGACCGCGTCGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGTGCAGACTGT  
G

>trans\_c\_8315 AF168846|Globba curtissii 18S small subunit ribosomal RNA gene, complete  
sequence

CAAAAAAACCCAAATTTGCTGAATAATTAATAAGTTTTATCTTTTCTCCACCTTCAGAAGAATAAAGCATA  
GGCATTCCCCCGGAACCCAAAGACTTTGATTTCTCATAAGGTGCTGGCGGAGTCCTTAAAGCAACATC

>trans\_c\_8316 EF473701|Acrostichum danaeifolium ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

AGGTGCTCTCTTGTGTACAACACCAAGTGCTTTGGTGACAGTAAGGTGGAGGGAAAGTTAAAAGTCTTGT  
TTCTTCACATTAGTTTTGTAGCATGTTATTATTATGAACATACATTATTATATTCTTTAAGACACATGCA

>trans\_c\_8317 DQ629326|Phyllocladus aspleniifolius large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

GGTCACGCCTGCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATGACAGGAACCTTCACGGACCGAAG  
CCCCGGTGAACGGCGGCCGTAAACATATTGCCAGGATTCCATCGCTTTAAGGAACAGCCAAAACAATAGTTTAT

>trans\_c\_8318 AB012639|Nicotiana sylvestris Lhcb1\*7 gene for light harvesting chlorophyll a/b-  
binding protein, complete cds

TCACTTCATTTCATACCCATTACAACCTCTTTCTGAATCATTCCAATGGCTGCCTCTACAATGGCTCTTTCTTCTCC  
ATCTCTGGCCGGCAAGGCCGTGAAGCTCTCCCCAATTTTTTCAGGGCCTGAAAGGTCAAGGAGGCT

>trans\_c\_8319 DQ629314|Dryopteris wallichiana large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

GGTCACGCCTGCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATGACAGGAACCTTCACGGACCGAAG  
CCCCGGTGAACGGCGGCCGTAACTATAACGGTCCTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTCGGGTAACCTTAGTTTAT

>trans\_c\_8320 AB063575|Nicotiana tabacum NtWRKY-8 mRNA for WRKY DNA-binding protein, partial cds

CCGGAATATGGGGTTGTTCAAAACCAGAGCCAAAACAACAGCAGCGGGGAGTTGCAGTCTGATTATGGCAAC  
AATTACCCTCAACAATCTCAGACGGTGAATCGAAGGTCTGACGACGGCTACAACCTGGAGACCTATGTATTG

>trans\_c\_8321 AY042810|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F10B6.14) mRNA, complete cds

GGATGGAGTTGCCTTGTCAAATCATGGAGGTGGGCTTAATTCTTTGTTGCAGGGGAATCGCCCTTTGAATAAG  
GAGATATGTAATAACTCTGATGAGCACTCGTTCTTCCATCGGAGCTTCCGGCTAGACCGAGAACAGAAG

>trans\_c\_8322 CP001334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 16, complete sequence

AGTCAGCCTCTATATGATTCCGCTGTATATACATTCTCAAGCTTTGCCAGTCGTATATAAGCTTACCATGA  
CAAATTTTACAAGCAACGATGGCTGTTTTGGTTGGATTTAAACTTGTAAATAAATAACCCCCCGC

>trans\_c\_8323 NM\_105147|Arabidopsis thaliana CP5 (CP5) mRNA, complete cds

GTTTGAAAATCTACGGGCAACACCGAATACAACCTGCTTTTGTTAAGAGGCCCTGATCGAGGCTGCAAGCAAG  
GGCGATAGCTCCACCGACGATAAGAAGCTTAGACAAGTTCTTCCTTGCTGGTTTTTCCAAGGGCTCTTCTA

>trans\_c\_8324 AF130426|Lycopersicon esculentum cryptochrome 2 gene, complete cds

TCGTTATATATGTTTCAACTTTCCATTACCCATGAGAGATCATTGCTAAGCAGTCTGAAGTTCTTTCCTTGGA  
TGCTAGCCAGGATAACTTTAAGGCTTGGCGGCTGGGTGCAACTGGTTACCCATGTTGGTCCATGAACC

>trans\_c\_8325 NM\_001160916|Arabidopsis thaliana RCD1 (RADICAL-INDUCED CELL DEATH1);  
protein binding (RCD1) mRNA, complete cds

GGTCCCTTCTAAAGATATGGAGCTTATCAATATGCAATACGAACAATTCAGGGCTAAGAAGATGAATCGTGAT  
GATTTTGTAAACTGCTGAGACTGACAGTTGGAGATTCTTTGTTGTGGACTACAATATCAACAGAAACAC

>trans\_c\_8326 XM\_001700482|Chlamydomonas reinhardtii FAD-dependent monooxygenase  
(CHLREDRAFT\_206210) mRNA, partial cds

AGCCCCCCCCCTTCATCCAGCCCCAGAATGAGAGAGGTGTCCCGCTCTATTCCACATCTTTCCTCAACTATAAA  
AAAATACCAAGTAATTTCACTCAAACCTTCTTCCGAATGCCACCTATGGATCCGTGGGTCTCTGCTCC

>trans\_c\_8327 D16247|Nicotiana sylvestris mRNA for RNA helicase like protein DB10

TGTGAAGTTTGGGAAGTCATCGAGAATCTTTGCGCGTGTCTATATGGAGGAGCACCGAAGGGCCCAATT  
GAGGGATATAGACCGTGGAGTAGATATTGCGACCATGGTCTTCAACTACCCGAAGCCCCCTAGGGCGAGGT

>trans\_c\_8328 CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

CAACGTGGGAGGGTCTTCTGGGAGAAGGCATCTGGATTTGAGGAGTCCATGAAGTACAAAAAGCTGACCA  
ATGCACAGAGATCAGGTCTGAACCAGATTCTTAACCGTAGGTTTACTCTTTGGTGGTCACCTACCATAAAC

>trans\_c\_8329 AP009366|Aethionema cordifolium chloroplast DNA, complete sequence

CCGGTGGGTTCCCTTAACCAAGCCACTGCCTATGAGTCGCCGGCTTGACAGCACAAAGGTCTCATCGAGCTGG  
GATTATCAAACATCATCAAAGCAGAGTTCTGTCTCTGCACCCCTACCTCCTTTATCACTGAGCGGTCATT

>trans\_c\_8330 XM\_002302133|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

AGTACAGTGGATCCAATGAAGGAGCCTCCTCTCATCACAGCAAACACTGTCCTGTCTATTCTTGCTGTCGATTA  
TCCTGTAGACAAGGTTTCGTGCTATGTTTCTGATGATGGTGCTGCCATGCTTACTTTTGCAAAGATCGT

>trans\_c\_8331 FN563099|Bathycoccus prasinus plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene,  
tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain SCCAP K-0417

AGTGGGAAGATTTATAGGTAGAGGCGACAAACCTACCGAGCCTGGTGATAGCTGGTTGTCCAAGATAGAATC  
TTAGTTCAACTTTAAATTTGCCACAGAACCTCTAAATCCCCTTGTAATTTAACTGTTAGTCCCACGCC

>trans\_c\_8332 CP000589|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 9, complete sequence

CAAGGCAGAGAAAGCCATTGCGCGCTAGCCTAGCTAGCAAATTCTTTGCGCCTTGTTCACTTCTTGACTG  
ATTCTTTCTTGGGATCGGATCGGGGATCCTATATTCCTAGTATCTCCTATTTCTATCTATTATCCAGAA

>trans\_c\_8333 NM\_001049031|Oryza sativa Japonica Group Os01g0231500 (Os01g0231500)  
mRNA, complete cds

AGAAATCCTTTGGAATGAACGTACTCTATTCTTGATCATTTGATCAGCCAACATCAAGACTGTCTTCAGCGA  
GAACTTCCTCCCACAATATACAAAGAGATCTTCGAGACTTGGTCCAAGCAAATCAAGGACAAGCACATT

>trans\_c\_8334 DQ673259|Jasminum subhumile psaA-psbB fragment, chloroplast

AGAGATTTGGTGAGATTATCCAATTTGTAAGATACTTATTTTGGATGAGCCACAAGCTAATAGGATGAACTAA  
ATGAGTTCTGCATTATGAACTATGTATCACGCATATGACTTATAGATGTGCTTTATTTTCGACACGCTTT

>trans\_c\_8335 AF207690|Daucus carota cultivar Kurodagosun chlorophyll a/b-binding protein  
(cab3) mRNA, complete cds

AAAGGGTCCTCTTGAGAACCTTCTTGACCACCTTGATAACCCAGTGGCTAACAATGCTTGGGTTTATGCCACCA  
AGTTTGGCCCTGGCTCATAAGTATATCACGGTAATTACTGAAATTGAACAAGTTTGTGTTTGTGTTGTG

>trans\_c\_8336 EU002490|Coriaria nepalensis RNA polymerase beta' subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

GTGTCTTGCGAAGAAGGTTTCCACGCCCTGTTGTTCCGCTCGTAACAACCCAATGAGTTCTCCAGGTAAAAAA  
ACATTAGACATTCCATCTTCTGAAACCAAGACTTTTGATGTTATTTGACGTACAATAATAAGCTATTGT

>trans\_c\_8337 NM\_001063527|Oryza sativa Japonica Group Os06g0184300 (Os06g0184300)  
mRNA, complete cds

CATGCAATGTTCTTTTTGCTCCAACAAATTTGATCCATTTTAGATCTAAGTCTGGACATAGTGAAGGCTGATTC  
TATTTGTAAAGCGTTTAAAACTTCACCACTCCTGAGCTATTGGATGGGGGGGAAAGGCAGTATCAAT

>trans\_c\_8338 AB019427|Nicotiana paniculata mRNA for elongation factor-1 alpha, complete cds

CAAGCATTGCCAGACTCTGAAATTACCGAACAAGGAAATGCTTCTGCAGATCTAGTGTATCTGTTTCGACAGC  
CAATCTCATCTTCAGTTTCCATGGCCTCACAATCTATATCTGGTCAAGTTATTGTGCCAAGTGCCGTTTC

>trans\_c\_8339 Novel Gene

ATTGGCTCTTCTAACTGGAAGACAGGCTCATGTGATGACATTGAAGTGGGAGCTGTGCTGGAGGATGAGA  
AATGGCAAGCCCCTGTTTACTGCTTTGATGGCACGGGAAGTACTGTCAATGATGTGGCTCTACACCAGAAT



>trans\_c\_8349 XM\_002889124|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pollen ole e 1 allergen and extensin family protein, mRNA

AGTGGGAGAAGCCTCAATCTTAAATCGGATAGGATTCGGTTGGTGGTCTCTAATTCCTTACAATTCAATATCTG  
GGATTGTTGTTACTTCCTCATGAATGATTTTCGTGTTATCTTTTTCTTTTTTTTTCTGGACGGGGCGT

>trans\_c\_8350 NM\_111175|Arabidopsis thaliana CSLD3 (CELLULOSE SYNTHASE-LIKE D3); cellulose synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CSLD3) mRNA, complete cds

GCCTCCATTGCTCCACCCAGACGGAACTTATGTTCTCTTCCGGCACTGTCGCAGATATTTCTTCTGAAAGAA  
GCTCGAGGCACACAACTCAAAACACAAACATCTGTGAAACCAGTGAATGAGGAATTAGTGGAGTGCCTG

>trans\_c\_8351 XM\_002890819|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 4 (ERD4), mRNA

ACCTTTTGTGTGTCTGTGACGATCAGCGATCGATAAAATGTATCTGGATAGATATTCTTAAAAAAGAATCAAC  
CTGTTCTTCCTAGTTTGACCTTCAGGGACTGGAGGAATATCTCTAACAATAATGGCAAATTGTTCTGC

>trans\_c\_8352 AY125528|Arabidopsis thaliana AT3g08530/T8G24\_1 mRNA, complete cds

CTTGCTGCTTGTGAAGCCATACATGATTGCAGTTCAGAGCAACAACGTGTCTGCTGTGAATGAGGCCTTGAAT  
GGAATTTATGTTGAAGAGGAAGACTATGATAGACTGCGTGAATCGATTGATTTGCACGACAGCAATGATC

>trans\_c\_8353 NM\_100062|Arabidopsis thaliana KEA1 (K EFFLUX ANTIporter 1); potassium ion transmembrane transporter/ potassium:hydrogen antiporter (KEA1) mRNA, complete cds

CAGAAACAGTTGAAACAAACATACCAACTGTTGATGAGCTCAGAGAATTGCTGCAAAAGGCCATGAAAGAAC  
TGGAAGTTGCGAGACTTAACAGCACAATGTTTGAGGAGAGAGCCCCAGCCCCGGGACTCCTATATGGCGATC

>trans\_c\_8354 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

AGGACCATGATTGGGAATTGTTGGATCGTCCTTTTACGAGGAAGAGGCAAAACATAATCAACTTGAATTCGG  
GACAGCTATTCGAAATCTTAGTGAAAGACTGGATTTGTTATCTCATGTTTGCTTTTCGTGAGGGGGCACCA

>trans\_c\_8355 NM\_001124992|Arabidopsis thaliana catalytic/ iron ion binding / oxidoreductase (AT2G37700) mRNA, complete cds

ATAGTCATTTGGATTTCTCTCTCTCGTTACCAAACGGCTAAAGGAACTAAAAGGATTGTTGATAAACCCATTGA  
GTTGCAACAAGTTGATAGAGAAAGTTCATGGGATGACCAAATTTGTTCAATGGGCTGTTGGGGGTCTT

>trans\_c\_8356 NM\_001175665|Zea mays LOC100382981 (IDP87), mRNA

AGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGGGTTGGAAGGGACTCGAACCCGGAAGTTCGGATAAGATTT  
GGCTACCTTAAGAGAGTCATAGTTACTCCCGCCGTTTACCCGCGCTTGTTGAATTTCTTCACTTTGACATT

>trans\_c\_8357 HQ537457|Arachis hypogaea cultivar Huayu22 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAGTGTTTAGAAAAGAGAACAAACAAATGGAGGAAATGGATCTCTACCAACAGCAGCACACCACCAGGCAGG  
AGCAGTCATATCATATCTCATATCCGTGCAACAAACCCCGACTTCTGGAAGGGATGTGCCCAAATCACGGGG

>trans\_c\_8358 AY104661|Zea mays PCO084514 mRNA sequence

GTTGAGAAAGGTTCTCATATGCTGCAGATTGATGTCGATACACAGAAAGGTGGACTCAGCATTAAACCGAATT  
TCTTTGTGGACTTCGCGACCGAGCCTGATGGTCCTTCGTTGGCCCACGAGATGAGGTATCCTGGAGGTGA

>trans\_c\_8359 AY258274|Cucumis sativus Calypso ribosomal protein L5 (rpl5) and ribosomal  
protein S14 (rps14) pseudogenes, complete sequence

GACAGTCTCAGGTAGTATCCCACTATTCTCAATATAGTAAAGTAAGGCGGAGAACTCTTGTTTCATTGGAGTGC  
GGAGGTTCTTCCCTTCAGTCAGAGTGTGGGGACTGAGCCTGTAGAATGAGCTTCTCTGGGGACAGAAAGG

>trans\_c\_8360 AJ307662|Oryza sativa genomic DNA fragment, chromosome 2

ACCGCGCCAGCCCAGCCTTGCCTCCCCGTATAACTTAAACCTACTGCTGTACCATACCTTTATCATAGATCCCTA  
AAACCGCGCAAGCTATTGTGATGGGCCCTCCCCCTAGAAAAATAAATTTAATATCATGTGGGCCCGATG

>trans\_c\_8361 Novel Gene

GAAGCGAGCTGAGGCTGTGTCCTGATCCTCATTCTTTAAGCTTTTGAGGTGATTTCTTCTTGTTATTGATTTT  
CGCCTGACGACACTTCCTTCTACGATATCTCCTTAACAAAAAAGAAAAATAAAGGAGAAGAAAGCTC

>trans\_c\_8362 Novel Gene

AAGGCCCGTTGGCCTCTTTAATTATTTATCCGTTTCATTAGCAATTCAGACTTTGTTATGTTTCTCATTTCATTCGAC  
TCTTTCACAAGCGTATTTGAGCGGAAATTTGATTTCTTATCACAAGGCTTGTAACTGCTCGGCAA

>trans\_c\_8363 U92504|Brassica rapa PSI-H subunit (psaH) mRNA, complete cds

TTTAGTTTCAAACACTTTTGTACCATCTTAGCAACAACAGCACCAGCCTTGAAGTTTTTGGTCTGAAGCTC  
TGGCTCTCTGGTACAGCACCCGTTTTGTGCGATGCGTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCT

>trans\_c\_8364 AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

GAAGAATTGACTCAGGAACTGGAAACCCGAAGGGCTTCAGAATCTAAGATAAAGGAAGATATTTAGCCGTT  
GAAAGTCATTTTGCTTCAGCTAAAGAGGATCTTCGTGTAAAGATGTCTGAACTGGAAGAAGCCCTTGGTC

>trans\_c\_8365 AF479218|Disanthus cercidifolia 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

ATTCCACAATGTAGGCAAGGGAAGTCGGCAAAATGGATCCGTAACTCGGGAAAAGGATTGGCTCTCTCCCT  
CAAAGTGGGTTTTCCCTCTCATGGAGAGTTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGAGGCCAC

>trans\_c\_8366 AY105592|Zea mays PCO097285 mRNA sequence

GACAAAGGCTTAGAACTTCTCCAAGAAATCTTACAGCATCTCCGTGATCTAAGGAACGTTGATCTTCAGTTGAA  
GAACATGGGAGACAGTGCCATAGCGTGATCGCAATCTATCCACAATCATTTTAGAGGTTTGTTGTTT

>trans\_c\_8367 AY104457|Zea mays PCO086194 mRNA sequence

GGGACACGTTGACGGATCTGTACTCGAGAGATTTTCAGAGGAAGATACTTTTCAATACGAATTCGATTTGTTT  
AAAGGGGTGTCGACGAATTGGAGGGACACGTTGACTTGTTGTTGTGCACCGCGTGTTACTCTTGTGT

>trans\_c\_8368 NM\_001061765|Oryza sativa Japonica Group Os05g0334400 (Os05g0334400)  
mRNA, complete cds

TGATGATACCAATATCTTGTACACTTGCAAAGTTTCCTACATTGATGCTATCTTGGGCACCAGCATCAAAGTTCC  
AACTGTAGATGGGATGGTTGATTTAAAAATTCCTGGGCCCCACACAACCAAATACGACACTTGTGAAC

>trans\_c\_8369 NM\_001061904|Oryza sativa Japonica Group Os05g0373700 (Os05g0373700)  
mRNA, complete cds

ATTCCGGGTCATCTTATGATCTGGGTCTGTAGCTGGGAGCTCAAATCTTCAATCTTTGCTTCCCCGAAAACAAT  
GTAGGTGTCTGAGGTGGGACTCTTGAAGACATCTGGTTTCGAAATGACAATTTCTTATAATTTGCCCT

>trans\_c\_8370 AB097442|Oryza sativa Japonica Group transposon AnacB2 DNA, complete  
sequence

TGCAAATTTCTGACGATGGGAATTTGTTGGAGTGATCGTTCCAAGTCTTTGAGTCCTCCTAAAGGTCTTACGAG  
GTTTAAGTCTAAGAGAGGAGATGGGGAACATTCTCATATTTCCAGCAGCAAGGCGCTATCAGCGAGAT

>trans\_c\_8371 NM\_001071037|Oryza sativa Japonica Group Os10g0389800 (Os10g0389800)  
mRNA, complete cds

ATGCCAGAAAGTGAGCTAAACTCTGAGGCAGGTTGCCTGACATAGAATTGAAAGACAGATCCAATATGGAT  
AGGGAAGTTAGCTGGCCATACACATCATTCAATGGATCCTGAAGCTGATTATGACTGATGTTTAGGTATT

>trans\_c\_8372 AY714375|Aegiceras corniculatum aldehyde dehydrogenase mRNA, partial cds

TGAGAAACATGCTCCTGAACTTTCAGTATTGGAAACATGGAACAATGGGAAACCTTACGAACAATCGCTTAAA  
TCTGAATTACCGTTACTCGTACGCTTGTTTCACTATTATGCAGGCTGGGCCGAAGTGCGCCATATCAAT

>trans\_c\_8373 GQ184593|Zea mays aminoaldehyde dehydrogenase 1 (AMADH1) mRNA, complete  
cds

CAAGCCTGTTACCATGGAACTTGGTGGAAAAAGTCCGATTGTTGTTTTTGATGATGTTGATCTTGACAAGGCT  
GCCGAATGGACAATATTTGTTGCTTTTGGACAAATGGTCAGATTGTCAGTGCCACATCCCGTCTACTT

>trans\_c\_8374 FM992544|Gonatozygon brebissonii chloroplast partial 23S rRNA gene, strain SVCK  
210

ACATAGGCTTTGGGAGGAAACGCGGGGAAGTGAAACATCTCAGTACCCGTAGGAAGAGAAAACAACCGTGA  
TTCCGTGAGTAGTGGCGAGCGAAAGCGGAAGATGGCTAAACCGCATGCATGTGATACCTAACGAAAACCAC

>trans\_c\_8375 AB268090|Wetria insignis gene for 18S ribosomal RNA, partial sequence

AGAGCTATGCGGAGGTACCCCTCCGCGGCCAGCTTCTTAGAGGGACTATCCGGCTCGGCTCCAAGGAAGTTT  
GAGGCAATAACAGGTCTGTGATGGGGAATCTACCCTCAAATACATATATATACTGATGTATTCAACG

>trans\_c\_8376 Novel Gene

AAACAACAATCCGCTCTCTTGAAGAAAGTTTCAAACAGAATAGCACGCTCAATCCTAAGCAAAAACAAGGCT  
TAGCAAGACAGCTAAATCTACTGCCACGACAAGTTGAAGTATGGTTTCAGGGCGACTCTCCTCGACACC

>trans\_c\_8377 AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

CATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAAATCATTTTGATAATAATAAGTTTGATCTGTTTTACCGAGAAGGT  
CTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCAATAAGGTTAATGCACTACTAAGAGGCACACTGACCGTCT

>trans\_c\_8378 EU915140|Mancoa hispida phytochrome A (PHYA) gene, partial cds

AAGGACTACGAAATGGATGCAATCCACTCTTTACAACCTGATCCTTAGAAATACTTTTAAAGATACAGATACAGA  
TGAAATAAATCGAAAATCAATTCAAATGACACTTGGTGACCTAGGTTAGTGGAAGAATGGAGCAACC

>trans\_c\_8379 NM\_122180|Arabidopsis thaliana ATCSLA02; mannan synthase/ transferase,  
transferring glycosyl groups (ATCSLA02) mRNA, complete cds

CAAGAATGCAAGAGATGTCTTTGGATTACCATTTACAGTGGAACAAGAAGTTGGTTCTGCTACTCATGCCTTC  
TTTGGCTTCAATGGAAGTGTGGTGTATGGAGAATTGCTGCCATTAACGAGTACAACGTGCATGCTTA

>trans\_c\_8380 EU557047|Hordeum vulgare MIKC-type MADS-box transcription factor AGL1 mRNA,  
complete cds

CGGTGGGGAAGACAGAAGGGGCATTCTTGGAATTACAACAACCTACCAAGAAGCAAAGAATAATCAAACCTT  
TGTAACACATATTCAATTTAATTACCTTCTCTTTTTCTTTTTGCCCCCCCCCAGGGTGTTTTGA

>trans\_c\_8381 XM\_002888998|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-1 chain (TUB1), mRNA

CATTGGTACACAGGGGAGGGAATGGATGAGATGGAATTCAGGCTGAGAGTAATATGAATGATTTGGT  
GGCTGAGTATCAACAATATCAAGATGCTACGGTTGATGATGATGCTGATTTTGATGGTGCACAATGCTGTG

>trans\_c\_8382 Z70241|Olea europaea cox3 gene (RNA editing)

ATACCAAAGTCGTACAATTAGGACTTCGATATGGTTTTCTTCTTTATCGTATCGGAGGTTATGTTCTTTTTTG  
CTTTTTTTGGGCTTTTTTTCATTCTTCTTTGGCACCTACCCATCTCTAGCCTCCGCGGGTTAAAAA

>trans\_c\_8383 AY109929|Zea mays CL4401\_1 mRNA sequence

AACAGGATTCATAAAAATGGAGAATGGAGATTGCAAAGGTTTTAGACTCGCACCAGATTCTGCAGCTGCCGA  
TTGCTGCCATGGATCTTGTAAGGGTAATCCGGCGACTAACGACTGGATTCCGGCCCTATTACGCTTAAAG

>trans\_c\_8384 DQ499430|Salsola canescens photosystem II CP47 protein (psbB) gene, partial  
sequence; and photosystem II subunit (psbT) and photosystem II subunit (psbN) genes, complete  
sequence; chloroplast genes for chloroplast products

TGAGAAGCTATCCGTTATCCATCACCAAAATTGCGCCACTCTGAAGCCGATCTAAGTTTTCTTCTAAAATAAT  
GAATTTTTGATCCATGATCGTTCTCATTGTTTAGGTTTCATATAGTGAGATGTGATAATCATATCAAAG

>trans\_c\_8385 GU457417|Arachis hypogaea germin-like protein subfamily 3 member 3 precursor  
(GLP1) mRNA, complete cds

AAAAACGCGTCGCCGACCTCAAGTCTCCTGATACCCCTTCTGGCTTCCCTTGCAAGAAGGCATCCCTTGTCACA  
GAAAAAGACTTTGTTTATTCGGGTCTTGTGTGGTAGTTGCCACAGGACCCAAGACAACCTTTCCCCCA

>trans\_c\_8386 NM\_179531|Arabidopsis thaliana agenet domain-containing protein / bromo-adjacent homology (BAH) domain-containing protein (AT1G68580) mRNA, complete cds

AAATTGGGTCAATATACCAGAGATTTTTCATGGCTTGGATGCCCTTGGACTTGTAACGAAAGCGCAAACACT  
ATCCATCGTTCAGCCGCAATGGTGTTAAGATCTCGGTTTCATGACTTTGTACATGTCTTGCGACAGGAAC

>trans\_c\_8387 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

ACAAAAACACAGGGTCTCCGCAAAGTCGTAAGACCATGTATGGGGGCTGACGCCTGCCAGTGCCGGAAGGT  
CAAGGAAGTTGGTGACCTCTCATGGAGAGTTCGATCCTGGCTCAGGATGAACGCTGGCGGCATGAGGCCA

>trans\_c\_8388 AB083031|Glycine max mRNA for syringolide-induced protein 13-1-1, complete cds

TGGGTAAGATCAGGAATTGGGCCAAAGAGAGCGAGAGGAATCGGAGGTGTCTTGTAATGGAGGAACTGG  
GGATGTTTTAGCAGCCTCGTTTGAGCATTTTGCTGGTGGGGATCGGTCTCCACGTGTTGGGTGGTCTTG

>trans\_c\_8389 NM\_001189234|Oryza sativa Japonica Group Os10g0427300 (Os10g0427300)  
mRNA, complete cds

TCATTCGTCTTTCGATTTGAAATTGGTTCTCGATCTTCATCAGCGTCGTCAACAGCGTCGACTTCTCAGAAGCC  
GGTGGCTGGTGGACTTTCGTGTCTCTTTCCGCTTCACCTGTACGTCATGTCTCGTCTCTGACAGCG

>trans\_c\_8390 X86563|Zea mays complete chloroplast genome

CGTAACTTCGGGAGAAGGGGTGCCTCCTACTTATTTTTTTTAAAGTAAATTATCGACTCCATCCGACTAGTTCCG  
GGTTCGAGTCCCGGATGGCCCACCACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGACTGCAGAACAC

>trans\_c\_8391 AJ310426|Hordeum vulgare mRNA for cathepsin B (cathB gene)

GGATCCCAATGATATCATGGCAGAAGTTTATAAGAATGGACCAGTCGAGGTTTCCTTCACAGTGTATGAGGAT  
TTTGCTCACTATAAATCTGGCGTTTACAAATATATTACCGGCGATACGGCGGGAGCCGTATAGTGCTTC

>trans\_c\_8392 EU017163|Scaevola aemula 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial sequence;  
chloroplast

GAGACAGTTCGGTCCATATCCGGTGTGGGCGTTAGAGCATTGGATGTGACATTCTTTCATAAACGGATAACAT  
ACCATACCAAAGCTAGTTGACCGCGAATGTTCATAGCTTCAGCCAGCTGTTCCGAGACTTTTAACAGGA

>trans\_c\_8393 Novel Gene

AGGATGGCCCAGCTACGCCAAGCTTTTCTTATTTTCTTATCTTCTTCGTAGACTGAGGAAGTACGTCCGGGGTG  
AACCGAGCCCCCTATATCGAGTCAACCATCTCGAGGCGAGAACGTTAACCCAGCAACGCTAATGCCC

>trans\_c\_8394 NM\_001059055|Oryza sativa Japonica Group Os04g0348100 (Os04g0348100)  
mRNA, complete cds

CCAAGCCATTTTCTTCTAAGCATTTGCTGAACAAGTCCCGTTCGCTTCCTGTTCAAGCTGCAGTTATTTGGGGCC  
CCATTCCCAGTCCTCAGACCAAGGAGCGTTTCAAGCTCAGAAGAACTCCAGAAGAATCCGCAGGTA

>trans\_c\_8395 XM\_001693169|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GGGAGGTTTCGTAGACGAGTAGGATTCGTTTCTCTAAAGAAACACAACCTGGTATTGGTGGAACCTGAAAGT  
AACCATGGATGCTGCTCCGTCTGGTGCTTCTCGGAGATGAGGGTTTCTGCGGCTACCTCCTCCGTCCCT

>trans\_c\_8396 FJ794601|Arabidopsis thaliana nevershed (NEV) mRNA, complete cds

AAGCTCAGATGCAAGGTATTATAACTTTTTCTTCTTGTATAACTCTATTTGATTCTTGATTAGTTGTTTGTTA  
CTTGGAATCTATCACAGTGTATCCAGTGTCTTATTACCTTCAGCACATATTCTATACCATTTTGAG

>trans\_c\_8397 X79053|S. tuberosum met3-2 mRNA for ATP-sulfate adenyllyltransferase

CTTGACCGTTTCCGACAGTCACCTGCAGAACTACGGGAGGAATTTACCCGGCGAAATGCAGATGCAGTGTGTTG  
CATTCCAACCTTCGAAACCCAGTACATAACGGCCATGCATTACTAATGACTGTGTGGGCGGCAGCTGTGC

>trans\_c\_8398 L47221|Phaseolus vulgaris eukaryotic initiation factor 5 (eIF-5) gene, complete cds

TATTGCTACGCGGCAGCCCTGAAGTGGAATGGTTCTTCGTCCGCCTCTGGACTTGTGTTGATACAAAAGA  
TTCGATGGAGCGTAAAGAGTTATCTGTGATCCTTCCTCAGCAGCGACTACAGCAAGGAACCTTCTTCTT

>trans\_c\_8399 AY429441|Gossypium barbadense fiber protein Fb37 mRNA, complete cds

ATTCAATCAATCACAAACAGGGGTATTATAATTGTTTTGATCAATCCATGGCTGAAGAACATAGATGCCAAG  
CGCCGAAGCTTTGTGCGAACAACCTGCGGATTTTTTGGCAGTCCCGCGGTAAGAGATCTCTGTTCTGGGC

>trans\_c\_8400 AF032471|Citrullus lanatus ADP-glucose pyrophosphorylase small subunit (wms1)  
mRNA, complete cds

TTAAAAGTAACAGTGGGTATAGTGTGGACTGTGGAGTGAGGGATTCTCTCCTAAGCTTTGCCATTTACTACC  
AAAAGGGAATGCATGTGGACATAATGGGTGGGATTGAACAAGGCAGACACAAAAGGTCTCTCTCTCTCT

>trans\_c\_8401 AY173936|Cucumis sativus ATP synthase epsilon subunit (atpB) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

ATTTAAGGTCATTTCTTCAATTTGCTCTCCATTTCTAAGTTCGTAGCCTTCGCAGTAGCTTCATCGATGTTACCTA  
CCCTCACTTCCAAGCAGCTAGGAAGAAATGTAAAGAACGAGAGTTGTTGAACTAGCATATTGGAA

>trans\_c\_8402 NM\_179028|Arabidopsis thaliana haloacid dehalogenase-like hydrolase family  
protein (AT4G11570) mRNA, complete cds

AGAAGCAGGCTTGTTAGCTCTTCTCAGGAAGAAGGAAAATCCCCTCCCCCAGCTTTTATCCTCAGAAGAAT  
AGAGGGGATGAAGAACGAACAAGCTATTTCTGAAGTTCTTTGCTGGTCAAGAGATCCTCGAGAATTGAG

>trans\_c\_8403 AB078603|Pisum sativum SN4TDR mRNA for 110 kDa 4Snc-Tudor domain protein,  
complete cds

CTCCCACCATTCAAAGATTATGATGCCTCACTGGCACCAGGAACCTTGCTCCAACGGCCAAGACCTTGTTGCTT  
AGCTTGGTCTTCAAGACGCAGTAGCTCTGCAAGGTAAGGACTCACTTCACCCTTCTGCTGACCTTGCT

>trans\_c\_8404 AB095910|Vicia faba Vfphot1b mRNA for phototropin, complete cds

CGCCGAGTGGGGATTGGTACTGAAAACCGATACGGAAACTGGGAAGCCGCAGGGCGTTGGGGTTAGAACTT  
CGGGCGGCGATGAACAGAATACGAAACAGGAAACTCCCGAAGGACTTCTCCGCTAAGCTGTATGAGCCTA

>trans\_c\_8405 AY184822|Nicotiana attenuata lipoxygenase mRNA, partial cds

GAGGCTTAAGGCAGTTCTTCACAACCTTAATTCCATCCCTCAAAGCCAGTATTTTGTCAAACAAACATGATTTC  
ATGGTTTTTCAGACATTGACAGCCTTTACAGTGAAGGGGTGCTCCTCGACGGCGGAATCGAGGACC

>trans\_c\_8406 FJ957173|Butia eriospatha voucher FTG:Noblick 4878 WRKY transcription factor 7  
(WRKY7) gene, exons 1 through 3 and partial cds

AGGTCTCAAGTGGATGCACTTCTTTCTTGGGAGGTTCAACAAATAAGTCTGGAACATGAGTTGTGTCTGGTTT  
CTCCCTCGATTCTTGTCTACACCGACAAATTCTTCTGTTGGATGGTCCTCATCTGGTCTTTACCCG

>trans\_c\_8407 XM\_001701893|Chlamydomonas reinhardtii SNF2 superfamily protein  
(CHLREDRAFT\_6783) mRNA, complete cds

AATGGCAACTCTTTCAGCTCTGGGACTTTCCAGTCACCAGAATCATCTCGGAAGCAGGAAGACATTTTCCCAG  
GTCCTTTACCACTCGTGTCAATGAATCCTAGATCAGACTGGGCTGATGATGAACGTGATACAAGTCAT

>trans\_c\_8408 AY839703|Bambusa contracta internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA  
gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

TTGTAGGGTCTCTTAGGGAAGATTCACTAGCCCCGCCAGTCCAAGTAGGAAGTTGGGCCATTGGCTTTGGGC  
GAAGGCCGAGAGTCAGTTGCCCTCGGGACAAAAAGTGTTATGTGAGGCTGGTCTCACAGAGTGATCAAT

>trans\_c\_8409 FJ858255|Vitis vinifera cultivar Sauvignon Blanc lipoxygenase (LOXA) mRNA,  
complete cds

GAAGTTCAGTGGAAAATTGAAGGAACTAGAAGGGATAATTGATGAAAGGAATGCTGACCGAAATCTAAAGA  
ACAGACATGGAGCTGGAGTTGCGCCTTATAGACTTTTGAAGCCTGAATCAGGGCCTTTCTGTCACTTGTG

>trans\_c\_8410 XM\_002867595|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata arginosuccinate synthase family,  
mRNA

TATTCACAGCAGCACGTGAGCTCGAATCCTTAACACTCGACCGCGAAACCATACAAGTCAAGGACTCACTTGC  
CCTCAAATACGCGGAGCTGGTATATGCAGGTCGATGGTTTGACCCAGTCCCTCCAACCGTCATGTTT

>trans\_c\_8411 EU073422|Salsola soda Na<sup>+</sup>/H<sup>+</sup> antiporter mRNA, complete cds

GATGTTGTGAGCGTGGCGTCATTCACTACACCCTCCCCAAATACTAGACTGTAAAGTAGAGGGGTTTCATCCT  
GGTTTAATATCTGCAACGTGCATACAGAATCTGTTGCGGCAATATAGCTCCAATTGCTAAAAATATCA

>trans\_c\_8412 EU908574|Solanum lycopersicum glucan water dikinase (GWD) mRNA, complete cds

AGAATCTGCAGTTCAAAACCTGCTTGGGTTATCGATCTGAGGGTCAAGGCTTCATGGTTGGGGTGAGATAAAT  
CCTATTTCTGGTTTGCCGTCTGAATTACCGGGTTTGCTGCATAAAACAAAATAGGGGCGCCATCCGTGA

>trans\_c\_8413 XM\_001695625|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CATGAGAAGCCCTTAGCTACGGGGAGAAACCCCTCTCTTTCACACCTCTGGCTGGAAGTCCTGCCGATTTCAA  
GCATCAAAATTCCATTCTCTTGAGATATTATGACCGCCTCATACTCCAGAAAAAAGAGATGATTG

>trans\_c\_8414 FJ590953|Dimocarpus longan cell division cycle protein gene, complete cds

CGAGGATTCTCGTCACCAAATTTTCAAGGCTTGCTTGAGGAAGTCCCCAGTATCAAAAGATGTAGACCTTAGA  
GCCCTTGCCAAGTACACTCAAGGTTTTAGTGGTGCTGATATTACAGAGATCTGTGTCGCACGAACGTG

>trans\_c\_8415 Novel Gene

TCAGAGTGCCCTTGACTGTACCCTTGGGACTTGACAAAGGTAGTGAATCTGTCAAACCATGCTCTCGGAGACT  
GTTTCAGACCATATAGAGATTTTTGGAGTTTACACACCTCCTGACCAAATTGGGCTTCAAATCCTGGT

>trans\_c\_8416 DQ150259|Vitis pseudoreticulata aldehyde dehydrogenase (ALDH2b) mRNA,  
complete cds

CAGACTAAGCTCCAGGGGTTCTGAATGTCGTTTCAGGCTATGGTCCGACCGCAGGTGCTGCTCTTGCTAGCCA  
TATGGATGTGGACAAGCTAGCTTTCACAGGATCGACAAGCACGGGAAAAGTTGTGCTTGATTGATGA

>trans\_c\_8417 EF382356|Cucumis sativus stachyose synthase mRNA, complete cds

GTACAGGCGGTCAGGCTGTATGATTTGCCCCATCCACATGCTGTTGTATGCACAGTGGATCATATGGACACCT  
TGTAACCAGTAAACACCCATGGGATCACCATTGGATCTTGGAACCAAAAATCATCGCCAACTCTTCC

>trans\_c\_8418 NM\_001062059|Oryza sativa Japonica Group Os05g0408900 (Os05g0408900)  
mRNA, complete cds

CGGCACCTTGAAGTGGAGACCACTAGTCCTTCCCGACCGATACATCGACCACGGATCACCAGCAGACCAACTG  
GCTGAAGCAGGTCTTACTCCGTCACATATTGCTGCTACAGTATTCATATACAGCTGTGTTTCCAGGTC

>trans\_c\_8419 GQ998663|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

GGATATCCCAAACAATAAAAAGATTAAAGAAAGAATAGCAGAATGCGAGAGATTACCTTTTGATTACCAGAA  
GCAGAAGAAGAATTAGTAGCGGGTTATCAAACCTGAGTATTCAGGTATAAAATTTGGTTATTTTATGT

>trans\_c\_8420 AF186185|Glycine max retrovirus-like element Calypso4-1, partial sequence

CACCGGAAGAACACCACAAAACGGCAGAAAGTTTGTTAGCAGATTTACCCAAAGAGCTTGGATATTTCTTCCC  
AAAGAATGAGGTGAGCACATTTTGCTTCTTCCTGGAGTTGATGGTGATAAAATAGGTTGCTCAGATG

>trans\_c\_8421 GQ998790|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 23S ribosomal  
RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

GGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTTCCCTCTCGACGATGAAGCTTATCCCCCGATGAGACCGTGCCGAC  
CTTGACCCCTGTTATTTTGAGATCATATCTAGTATTCAGAGTTTGCCTCGATTGGTACCGCTCTCGC

>trans\_c\_8422 NM\_111090|Arabidopsis thaliana RGP1 (REVERSIBLY GLYCOSYLATED POLYPEPTIDE  
1); cellulose synthase (UDP-forming) (RGP1) mRNA, complete cds

AGAAAATATAGAGTGGTCTCTCTCGGAAGGTCTAATGAAATAGAAAAAGGCCTATATGTTTCCTAATCATTAC  
CTCTAAAAGTTTTAATAGTTTTGTTTTCTCTCTCTCCTGTAAAAACGTTTACGGGTCTTCTGGG

>trans\_c\_8423 AL161592|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 88



CCTCACTGTGGTCTGTTTTCTTCTTGCTCTCTTTCTCTCGTGCAACTTCAACCGACAGAATCACTTCTATGGTCA  
TAGCGTTTGACCTGATCAAACCCGCGACACACAAAGGTACTCAGTCCCCTGCCCTGAATCTACGT

>trans\_c\_8424 EU984501|Nicotiana tabacum calreticulin mRNA, complete cds

ACATCGCTAAAGAGATAACTGATCCAGATGCCACCAAGCCCCAAGACTGGGATGATGAAGAAGATGGTGAAT  
GGGTCGCCCCAACCATTCCAACCCTGAATACAAAGGCCCATGGGAACCTAAGAAAATTAAGAACCCCTA

>trans\_c\_8425 NM\_001160916|Arabidopsis thaliana RCD1 (RADICAL-INDUCED CELL DEATH1);  
protein binding (RCD1) mRNA, complete cds

AATATTGATGACAACGGGGTGCAGTATCTGGTATTTTGCCGTGTAATATTGGGAAACATGGAACCTCTTCGCT  
CTGGAAGCAGACAATTCTATCCAAGTAGCAAGGATTTTGACAGCGGAGTGGAACCTTACAAAACCA

>trans\_c\_8426 BT005872|Arabidopsis thaliana At5g22340 gene, complete cds

CCCATAAGTTTCTTGCCAATGACTTCTTCGACTTCCAGCTTACGCCAGCTATGCTTGGGATGTTCTGTCTATAAAG  
CAGCTGCACTTGTTCAAGTTTACAGGGACAATGACAACCTGAGATTGGTCTTTCCAGAAAATGATG

>trans\_c\_8427 EF067844|Hordeum vulgare vrs1 locus, complete sequence; and Hox1 gene,  
complete cds

TTTCGAATATAAAAATCATTTTTTGATTGATTTGATCCATAACCTGACCTAGATCAATATTATAAACTCAATACT  
GTAAATTAAAGTATCGTTCTCGTCTCCATTCTTCGTACATTGTTGGAACATATATTGAATATGTA

>trans\_c\_8428 CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

AGTGAGAAGGTGGTTGCTGAGGATGTAGAGCAATTGAAAGAACAGGAAACGCCTGGTTCTTCTCTGACGAG  
AAAGCTGTTTTGGGAGACCAAGCAAGCTCTAAGCTTGTAAGCTAGCAGATGAAAAACAAGAAGAGGAG

>trans\_c\_8429 NM\_001056273|Oryza sativa Japonica Group Os03g0280700 (Os03g0280700)  
mRNA, complete cds

AGGCTTCAATGAAGAAATTAATCGATAGGGAAATATCCACGCGCACAAATGTCAAACATAATGGACCAAGCA  
TTGTTGCTCGACTCATGGGGATGGATATGTTGCCCTTAGATGCTAAAGATGTAGTTGAGCTAAGTGTGA

>trans\_c\_8430 D79979|Nicotiana tabacum mRNA for omega-3 fatty acid desaturase, complete cds

CAACAAGAACTAAGGTTCACTCTACCGTTCCCATGCTTGCATATCCTGTCTACCACTGGAGTAGAAGCCCT  
GGAAAGAAGGGCTCTCATTTGACCCCTAACAGTGATTTGTTTGACCGAGTGAGCGGAATGATATCA

>trans\_c\_8431 GQ916688|Equisetum palustre 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial  
sequence; chloroplast

AGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGCGGGGTGAGTAAAGCTCGAACCCGCAGTCAGGCGTCCAGTGAAA  
TAACATCTCAGTTGGCTGAACTACAATCCCTGTTGAGAAGAGTTTCGAGCTTTTCTGGGAGTATGGCATG

>trans\_c\_8432 Novel Gene

TTTTGATCTTGGAATTATTTTCATCGACATTCTGAGTTTTCTGGGACTTTTGTGCTTTGGGAATAGTGACTTTCTT  
TTTTCTTTCTTTCCAGTAATGGTTTGACTTCTACAAGCAATTTTGTGTCATGAGAAGAGAGTCCT

>trans\_c\_8433 AJ491856|Pisum sativum mRNA for GDA2 protein (gda2 gene)

AGTGGCTCTTTCCAATGCAATTGATAAAAGATTCAAGACATTGCCAGCAACAGAGACACTGCCAGAAATGAA  
GTTCTTGGTGGATACATCTTTGTCTGTAACAATGATACTATGCAAGAGAATCTCATCTCCGTCGTGGG

>trans\_c\_8434 CT029771|Poplar cDNA sequences

AGGCGGGGATTGAGAAACAGTTCTTCAGTGC GGAGTTCTTGGGTGTGATGCAAGAAATGATTAGAAAAGAA  
GTGCAGAGCTACATGTCTGGGATGGAACAGAATGGACTGTGTTTGCAGACGGAGGCTATCACGAACGCAG

>trans\_c\_8435 EU647214|Nicotiana tabacum plastid transketolase mRNA, complete cds; nuclear  
gene for plastid product

TGAGACATTGGGCACCACTGCAGAACTGCCCTCGTTGAGAAGTCCATCAATACAATTCGATTCTTGGCCATT  
GATGCGGTTGAGAAAGCTAATTCCGGTCACCTGTTTGGCCATGGGGTGGTATAAAGCAAACGTTTA

>trans\_c\_8436 NM\_119463|Arabidopsis thaliana APM1 (AMINOPEPTIDASE M1); aminopeptidase  
(APM1) mRNA, complete cds

AAGACACAAGGATATCCAGTTGTCACAGTCAAAGTGAAAGATGAGAAATTGGTGTTTGAGCAGTCAAGATTT  
TTGTCGAGTGTTTCCTCTGGAGAGGGGCAATGGATTGTTCTATAACATTGTGCTGTGGCTCCTATGAT

>trans\_c\_8437 NM\_116178|Arabidopsis thaliana RANGAP1 (RAN GTPASE ACTIVATING PROTEIN 1);  
RAN GTPase activator/ protein binding (RANGAP1) mRNA, complete cds

TCTGTCGCCGCCCATCTCTCAATCTCTGATTTTCGTGCAATAGGAAGGAGGTAGAACTTCTAAATCAAGAAG  
AAAAATGTCAGCTGATGAAGGTGCAGTTGTTGCCGAGGCTCCGGCCCCAGCTCTTTTGTCTGTGGCA

>trans\_c\_8438 DQ673258|Jasminum abyssinicum psaA-psbB fragment, chloroplast

AATAACTGAAAGAAAGGAAATCCATTAGTTATTCATCAAAGTTTCATTTATTCAATGACTAGAATTAACGAGG  
ATATATAGCTCGGAGACGTAGAACAAAAATTCGTTTATTTGCATCAAGCTTAGCTTTTTAGACGGAA

>trans\_c\_8439 NM\_102728|Arabidopsis thaliana glycyl-tRNA synthetase / glycine--tRNA ligase  
(AT1G29880) mRNA, complete cds

CGTCTCAGAATCCCCATTTCTTTCAATCTCACAATTTCCACGTCTCTTTTCAATGGATTCTTCCGAAGCATCGC  
TCAGAAATGCCCTTTCTCAGAAGCTATCGGCTGTTGAAGCTCAAGGCAATGCTGTTTCGAGCCTCT

>trans\_c\_8440 CP000595|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 15, complete sequence

GAGACCTAGCTTCAATCTGAAGAGAATTTGGCTGATCACCTTGCTGACCCAGTCAACACACCGTAGGTTTAAG  
CATAGCACCCAGGGTGGAAGTTCCCTGTCTCCCGCATGCTCCCTCCCCAAAAAGAGGCTTAAGTTTTT

>trans\_c\_8441 AF401727|Nicotiana tabacum genomic sequence and retrotransposon Tnt1 s131b  
long terminal repeat, partial sequence

CGGTAACAATCTCCGATCCGACATGGATTTCTCCGCAACGCCAAGACCGTCCGCCTCCGCAGCCATCACGAC  
AAGTACCTTGTTGCTGATGACGACCAGGACACCGTGAACCAAGACCGTGGCGGATCCTCCAAAACACT

>trans\_c\_8442 DQ395293|Solanum lycopersicum stress-associated protein 1 (SAP1) gene, complete cds

GGCACAGAGAACCGAGAAGGAGGAGACGGAGTTCAAAGTACCGGAGACGATCACGCTCTGCGTCAACAACT  
GCGGCCTTACAGGGAATCCAGCGACGAACATATACACAGTCTTCACAAAATTACGATGCTGCTGCTGGCG

>trans\_c\_8443 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV) gene, partial sequence; chloroplast

TCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAAACTTCATACACCTTA  
AAGTTGTTTATAAGATAGGACGGCTCCCACTTATCCTACACCTCTCAAGTCATTCACAAAGTCGG

>trans\_c\_8444 CP000581|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 1, complete sequence

ATCAGCCAGAGAGTCTAAAAGGAGGTTATGAAATAACTCGACTCCACGGGGCGAAGAAAGTCGACTGATAA  
GGAGTCAATGATGAAGGGCCTTTGGTCCGACTCCTTATCCCTTCAGTCCGGCCTGCTGGGCGAGGAGCC

>trans\_c\_8445 AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

GATTGTCTGGCCATCTGAACTTCGCGTCCATTGTCTAATGGATAGGACATAGGTCTTCTAAACCTTTGGTATAG  
GTTCAAATCCTATTGGACGCACCACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTTTACACAGAGTGCAGTAGTG

>trans\_c\_8446 XM\_002311983|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca1 (Lhca1-2), mRNA

GGTTCTGTGTGCAACAATCAGCATACCCAGGAACAGGGCCATTGGAGAACTTGGCAACTCACTTGGCTGACCC  
ATGGCACAACAACATTGGCGACATTATGTAGGGGTCTTGTTAAAGCGGAACTTAAAACGCAGTTTAGT

>trans\_c\_8447 EU004195|Morus nigra chloroplast photosynthetic water oxidation complex 33kDa subunit precursor, mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

TCACAGGCCAGAACATCCACGCGGTGCCTGCCTTGAAGGCAAATGAATCAACTCCTCCCTCAATGGTTGGGCA  
TTGGTTAGCTGTTCCAGTTCCTTAACTTCAAGGTATGTCTTGCTCTGAATTCATCAAAGGTGAGTC

>trans\_c\_8448 Novel Gene

AGCTAGGTTTTCTGGAATAGCAGATGATATGTTTCGATTTTCGGTTATGGGTTCAAGACAGCGATTTTGTCCGATC  
TGTCTCGAGAGTGAATCTGCTTACTTTTTAGATGAAAAGGGTAGCTTTGGTTTGCTTTGGGACGGGT

>trans\_c\_8449 AM260507|Platanus acerifolia partial mRNA for oligouridylate binding protein (ouBP gene)

ATAGTTCAAACACCCCAGCACCTTTAGCAGCCCAGTTACAACGAATCTGTCTACTCCCAAGCCACTTACCGGTT  
AAATCATTTATTGCATTTTGAGCTTCCTGCTGGTTTCGGAAGGAAACAAATCCAAACCCTCTTGATC

>trans\_c\_8450 NM\_119050|Arabidopsis thaliana emb2726 (embryo defective 2726); RNA binding / translation elongation factor (emb2726) mRNA, complete cds

TGAAACTGGTGGGGATTTAGAGAAGGCACAAGAGTATCTAAGAAAGAAAGGGCTTTCAAGTGCAGATAAGA  
AATCTAGCCGTCTAGCTGCTGAAGGAAGAATCGGATCCTACATTCACGACTCCCGTATTGGCGTTCTAAT

>trans\_c\_8451 XM\_001773945|Physcomitrella patens subsp. patens ATP-binding cassette transporter, subfamily G, member 19, group PDR protein PpABCG19 (ppabcg19) mRNA, complete cds

AAGACCCCCCTAGAAGAAAAGCATCTTTAGATTTGCTTGATTCTAAGCATCGTTGGGGTTCTCTAAAATGTTA  
TAAATCCTTGGTATAGGTTTCGTTTCCAGAATTTAGTAGAGTAATGAAAAATAATCGTTAAATCTT

>trans\_c\_8452 XM\_001698861|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GCACCTAAACAGGTTGTGGCTTGTGGCTTAGTGACGGCAGAGTTGGGGGCAGACTCAATGCTGATTTCTC  
TGGGTCGCTGGTTCGATCTGTTTGGGTATGAAGAAGAGGAAAGGGTGGCGGCGGCAATGGGTCAGGGA

>trans\_c\_8453 GU324591|Secale cereale cultivar Puma GI mRNA, partial cds

AAGATCAGTGCTGGCAGAGAAGCAAGAGTTATGTTTCTCTGTTGTTTCACTTTTATGGCACAAGTTAATTGCGA  
CGCCCGAAATTCAACCCAGTGCAGAGGGCACATCTGCCACACTTTCGTTCTCACAGTAGTACTACG

>trans\_c\_8454 FJ842814|Brassica rapa subsp. pekinensis isolate BrTN10 disease resistance protein gene, complete cds

AGACCGGTAGACTTGAACCAAGCTGCTGAACAATTATATGTTCTTCTTTTCTTTCTTCAAGTTACACGAGTTA  
AACTTTTCTGTTTCTTTATTCTGCTGATATTTGGGTGGTGTCCCCAAGCCAATCTCTCCTGAAAG

>trans\_c\_8455 XM\_002863254|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase 49KDa protein, mRNA

TAGATGGAATACATTGTGCAACCCTAATAAATAGCTACTATGTTTACAGAAGCAATAACCGTAAATGGTCCAG  
AACAGTTGGGAAATATTCAAGTCCCCAAAAGAGCTAGCTATATCAGAGTAAATACAACCTCAACTCA

>trans\_c\_8456 AB072285|Ipomoea nil transposon Tpn118 DNA, complete sequence

AACTAAGTTTGTGTCACATACAGACATGATTGCCATCGAAGGGCTTTTCCACACTTTTTTGAAGTTTGGCAA  
GTTACGAGTTACAAGCTTTTACACTTAAGCGTCATTGGGTGCTTTGAAAGCTAAGACGTGTTTCGA

>trans\_c\_8457 D37958|Malus x domestica atp9 gene for F0-ATPase subunit 9 (complete cds) and nad5 gene for NADH dehydrogenase subunit 5 (exon a and b)

AAATTTGCGAATCCCTCCCCGCTAAACCCCTCAAAATAATCGGAAAGCCTAGCCTTCTACGTCCTCCTGATTCT  
TCCCCTCGTTCCTTTGATCTTGGGCATCTCACTTGAATGCTTATGCATTCTTTGGCATGGTTCTG

>trans\_c\_8458 X80170|O.berteriana rpl2 gene

AAAGGTAGCTTCCTTCTCTCCTGGACGGATGGCGGCTTATGTAGTGGTCGGCCTTCTACCACCAGGATGCCT  
CCTTGGTCGAAGAGCCCCGATACTAGTACTAGAGGAAATATGTTCTTGCCCCCTGACATATAGCTTG

>trans\_c\_8459 NM\_001051499|Oryza sativa Japonica Group Os01g0875500 (Os01g0875500) mRNA, complete cds

TATGTGGGCAGCTCAAATGGCTGTTTCTCAGAATATAGGCGTTCATGGATAATGTGTCAGCAATATGATGCT  
CCTGACCCTGTGATTAATACTTGCAATTCATTCTACTGTGACCAATTCACACCTAATTCTCCAAACAA

>trans\_c\_8460 Novel Gene

AAAGGCTGCACAGCAGTAGTCAGGGCGTTCAGACCGGAGCTTTTTGTAGTGCTAGCAGTAATGCAAGTGAAT  
GAATCCCATCCCCTATCAAGGCATGTGTGTAAGTATGAACTAGCCTGAGTCACAGGGTCATAGGCAATC

>trans\_c\_8461 FJ895893|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf1 (ycf1) gene, partial cds;  
chloroplast

AAAATCTTTTATACTAGGTAATCTAGTATCCTTATGCATGAAGATAATCAATTCGGTCGTTGTGGTCGGACTCT  
ATTATGGATTTCTGACCACATTCTCCATAGGGCCCTCTTATCTCTTCCATGAACGCTGGCGGCATGG

>trans\_c\_8462 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

TCCGCTCCTCTTATCTTCTTCACACCTCTTCATGGCTCCAGCTCTCGCCAGAACTTTATCCACTCTTGCTCTTTCTT  
CACTCCCTCTATCAAACGGTGGTACTCGCTTGAGCTTGACAACGCTTTTCTGCCTCGGGGCAA

>trans\_c\_8463 NM\_112289|Arabidopsis thaliana ATPME3; pectinesterase (ATPME3) mRNA,  
complete cds

AAGTTCTCCTATTTTAAAATAAAAGTGGAACACATGTGCAGCAATGCGTTAGCCATGATCAAGAACATGACGG  
ACACAGACATAGCCAATTACGAGGCTAAAATGGGAATTTGGTTTTATCCCCCAGACGTTATTCCTT

>trans\_c\_8464 Novel Gene

CATGCTCAGTATTATCTTCACTCTTTGCTCGAACCGCGTGTTTAACAGATAAGATTCAACTCACAAGCATTTCATC  
GCTAGATCAAATATGGCGTCAGTTCATGCTACTATAACACCGGCTGTTGACGGAGACACAGGTTAC

>trans\_c\_8465 AJ303457|Arabidopsis thaliana partial mRNA for ribonucleoprotein 1 (rnp1 gene)

AAATACTAGGCGTCCACGAGGATTTGGTTTTATATCTTTTGATTCTGAAGAAGCTGTTGACAGAGTTTTGCACA  
AGACGTTTCACGATTTGAATGGTAAACAAGTAGAAGTTAAGCGTGCCCTTCCCAAGGATGCCAATCC

>trans\_c\_8466 AJ557244|Escallonia sp. Oxelman 2340 partial mRNA for RNA polymerase II, second  
largest subunit (rpb2 gene), d paralogue

TGTTATACAGTCAGTGGATTGACAGACATGAATTTCTATCGTCACCTCGCAAGCGATCGGAACCTGTCGGGAT  
TCATGATAACATCACTGTTATACAGTCAGTGGATTGACAGACATGAATTTCTATCGTCACCTCGCGC

>trans\_c\_8467 XM\_002867907|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata early-responsive to dehydration 3  
(ERD3), mRNA

CGTTAAGTCTGCGGTGAAAAGCCCATCAAGATGGAGCAAATCATAAGTTTCGAGGATATGTTGAAAATGCTTCA  
CACCAGTCATGGTAAGTTCCAATAAGACCACGATCATAGACCACAGGAAGAGTATTGGCAGCATAGG

>trans\_c\_8468 AY260020|Grubbia tomentosa 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

AGAGTAAAAAGGGTTTACAGAGATAGCGCGACCTATCGAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAATTCCTGAA  
CCGGGACGTGGCGGCTGACGGCAACCATTCCTAAAATTCTCATGATTATTTTAAGATTCCTCCCC

>trans\_c\_8469 NM\_001067143|Oryza sativa Japonica Group Os07g0673500 (Os07g0673500)  
mRNA, complete cds

GGGGCGTATATTATCACGGCCACGCCGATACGAGTGAGCATCCTCGGCATCTTCAAACCTCAACAAATGCATAA  
CCAGGTGGTCTTGGTGGAACCTTGAGATCAATGTGGGCTATGCGACCATACTTGTAATAAATCTT

>trans\_c\_8470 XM\_002299262|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP78D3v1), mRNA

AAAAGCTTCCATATCTTCAAGCTATTGTGAAGGAATGTTTAAGAATGCACCCACCAGGGCCACTTCTATCATGG  
GCAAGACTAGCGGTAGCGGACGTACACGTTGACGGGAGGGTTATACCGGCCGGGACGTGGGCAACA

>trans\_c\_8471 Novel Gene

TTGTTGACCTCACGGCGTTACTGATCTTAAACAAAAAGTTACAAGTCACCACGTATAACACGAACAAAGTTCTG  
AAGACATTCGGAACGTGGAGATATGAGTAATGCCTGAGTCGCAGCATCAAGGTCTGACCCAAATTG

>trans\_c\_8472 AY707470|Arabidopsis thaliana JKHR08F8 snoRNA, complete sequence

GTGCTGTGACGATGCTGTTTTATGGACTAGAGTTTCTGATCTGGGTACAATTCCTGGGATCTGATTATATAACC  
CTTGGCTGTCTGAGCAGTGCTGTGACGATATCACCGGGCGTTCATAGAGTTTCTGATCTGGGTACT

>trans\_c\_8473 XM\_002891505|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin alpha-2/alpha-4 chain,  
mRNA

TGTTCTAGAGCAATATTTTGTCTAGTGGAACCAACTGTTATCGATGAAGTAAGGACTGGGACATACCGACA  
GCTTTTCCATCCGGAACAGCTCATATCTGGTAAAGAAGATGCTGCAGACGGAAACTAAGAGGTACG

>trans\_c\_8474 XM\_002863378|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata LEM3 (ligand-effect modulator 3)  
family protein, mRNA

GATGTAGAAAAAGCTTCGGATTTGAATGAATGTTCAAGATCTCTTTCCATTTCTATTTACCCAGTTCATATCTT  
TCTTTCGTGTGTTCCCGGGAGGAATTCGATCTCGGGATACCACCTACGCGGAGATATAACTCTTT

>trans\_c\_8475 CT029098|Poplar cDNA sequences

TCGGAGCTCCAACGTCACAGCCTAAGATGACGCCAGTTAGTTCTTTTTCATGGCTTTCATACAATGAAGAACT  
GCCTCTGCATATACTGAGGATACAACCACCATGGCTGGCTTAGTGAGCAAAGGCTGTGCCGGTCC

>trans\_c\_8476 DQ629349|Dioscorea sp. Qiu 94044 large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

GTAGTCATAAGTGCCAGTGCCGGAAGGTCAAGGAAGTTGGTGACCTGATGACAGGACAGGACATTCACGA  
AGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAACATATTGCCAGGATTCCATCGCTTTAAGGAACAGCCATTCAAGG

>trans\_c\_8477 DQ014509|Eucalyptus grandis cellulose synthase 5 (CesA5) mRNA, complete cds

AGAGGAAAGATGGGAACCACTTGTCTCAGTGCAAGACTAGATACAAGAGGCACAAAGGGAGTCCTCGC  
GTTGATGGTGATGATGACGAGGATGATGTGGATGACATTGAGAATGAGTTTAATTACTGCACCTTCCTG

>trans\_c\_8478 XM\_002892673|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GAPA-2, mRNA

TTGTTCCCCAAACCTCTGCAGTGGGAAGCAATGGAGGATACAAGAAAGGGATCGTGGAAGCAAAGCTTAAG  
GTAGCCATCAATGGGTTTGGAAGGATTGGCAGGAATTTCTGAGGTGCTTTACGTTTCATACCCCTAAAA

>trans\_c\_8479 XM\_002304642|Populus trichocarpa histidine kinase cytokinin receptor (PHK4), mRNA

AGATCAGAACTCCTATGAATGGTGTCTAGGAATGTTGCATTTGCTTATGGACACAGACTTAGATGTGACTCA  
ACAAGATTATGTTAAAACTGCACAAGACAGTGTCCCCTAGGGTTGCGTGCCAGCGGGTAGGACCCCA

>trans\_c\_8480 AB233539|Montrouzieria sphaeroidea gene for 18S ribosomal RNA, partial sequence

TCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAACTTCATACCACCCG  
TGATTTGGGCACATCCCTTCCAGAAGTCGGGGTTTGTGACGTATTAGCTCTAGAATTACTACG

>trans\_c\_8481 GQ997966|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 photosystem II  
cytochrome b559 alpha subunit protein (psbE) gene, complete cds; chloroplast

TATTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGCACGGGTTTAGCTTACGATGTGGGGTTCCTAAAGATGAACCCGTCT  
GCGGGGCACTCTCTAATCACCTCCGGAACGGCCGCCAGTTAATGGGGTATTCTTTGGAACAACCTC

>trans\_c\_8482 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

CCGCGTCTGATTAGCTAGTTGGTATGAGTTTAGGGGAATTTATTTTTTCTGTATTCCGGAATATGAGTGTG  
TGACTTGTTAGAATTGATCCTATGGATACGACAGAGAAGAAGTCGGTCTAGAACTACTTCTACTAA

>trans\_c\_8483 XM\_002876576|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata delta-8 sphingolipid desaturase,  
mRNA

AGGTCTGGTTTGGATATGGAGGTGGAGAAGAAGTACATTACCTCTGAGGAGCTTCTCAAGCACAAACAAACCA  
GGAGATCTATGGATCTCTATTACGGGTAAGGTCTAATTACAGTGTCTTACCCGATTTTCATGTAGGACC

>trans\_c\_8484 GQ983873|Villarsia sp. Fay s.n. RNA polymerase beta subunit-like (rpoC2) gene,  
partial sequence; chloroplast

AGGATTAAGAATAAAGCCATTTATGTAAGTTGGTTGAGGTTAGGAAAATGGGTAATTGTAGAATCTTCTAAAG  
TGTTTTGGGAATAGTGAATCAAAAGCTGAAAAGCCTTTATATAATCGACTACTTAATCATCGGTGGT

>trans\_c\_8485 AY139775|Arabidopsis thaliana AT3g14100/MAG2\_5 mRNA, complete cds

GGTGCTGGGGTCATTGAAGAAGTCCGAATTCAGCGGGATAAAGGATTTGGTTTTGTGAGGTATAATACTCAT  
GCGGAGGCAGCTCTGGCTATTCAGATGGGAAATACTCGGTCTTTGAGGGTGTACTACAATAACTGT

>trans\_c\_8486 U09988|Glycine max Williams 82 mitochondrion NADH dehydrogenase subunit I  
(nad1) gene, exons D and E, partial cds, and maturase-related protein (mat-r) gene, complete cds

GTTTCAGGTTAGTGAAAGTGTTCTTGCCTCTATCATTAGCTTGGGTAGTCTTAGTTTCTGGTCTTTTAGTCACCT  
TTCAATGGCTCCCTTAATTATGTGCGAGGAATTCCTCATCGAGCGGCAAAGGATAAATATCAG

>trans\_c\_8487 AY664417|Zea mays cultivar Mo17 locus 9002, complete sequence

TAAGATTACCCCGCCTTAGGGCTACATGACTTTTGCCGTATCATTGTATCCCAGCTTTTTGCCATGTGGGCTTCC  
GTTATCCTATCCTCTCTCGGCACCTGCCGCAACCGGCATTGAGTGAGGAAGACCTCCTTCGGGC

>trans\_c\_8488 XM\_002310880|Populus trichocarpa precursor of transferase serine hydroxymethyltransferase 2 (SHMT2), mRNA

CAATCTTTATCTGGCTCTCCATCCAATTTTCAAGTTTATACTGCATTGCTAAACCTCACGATAGAATTATGGCA  
CTTGATCTTCCTCATGGTGGACATCTCTCATGGTTACCAGACTGATACCAAAAAGATCTCACC

>trans\_c\_8489 XM\_002304642|Populus trichocarpa histidine kinase cytokinin receptor (PHK4), mRNA

AGATCAGAACTCCTATGAATGGTGTCTAGGAATGTTGCATTTGCTTATGGACACAGACTTAGATGTGACTCA  
ACAAGATTATGTTAAAACTGCACAAGACAGTGTCCCTAGGGTTGCGTGCCAGCGGGTAGGACCCCA

>trans\_c\_8490 NM\_001051996|Oryza sativa Japonica Group Os01g0959800 (Os01g0959800) mRNA, partial cds

AAGCCTTTGAATATCTCGGCTCACGCTTCAGCAACTCCGGGTGGAAGAAGCCCTACGTGCCGCCGATACCAA  
CGGGGATGGTGTTCATCAGCATGGATGAGATGGGGAAGCTAAAATTCATGCGGTTTTGAGCATTTATG

>trans\_c\_8491 AF472078|Arabidopsis thaliana ecotype CVI-0 chromosome 5 locus MYJ24.7

CATCAATCGCCGCCAGTTTGTGGCTGACACCGCAGCTGCTGTTTCACTCTCCCTTTCTCCGTTTATTGCTCCAGT  
ACAGCCGCGCAAGTCCGAAGAATCTTGTCTGGAGTGGGAGAGACTTTACCTTCCTATAGATCCTG

>trans\_c\_8492 DQ419882|Tetraria fimbriolata 5S ribosomal RNA gene and non-transcribed spacer, genomic sequence

AAACACTATGTACTGTCTTGTGTGTATCATAATTCAATCAAAAACTTCTAGAATTACCCCAGTCAGATAAATA  
AAATTCTTTTTTCTTCAACTTCGCTTCGCGACTAATAGTTGAGGGACGGAGTATCCTTTCCAAG

>trans\_c\_8493 X69378|M.crystallinum mRNA for ribosomal protein YL16

AGAGTGAAGGGGAATTTTTGAGGCAGAGAAAGAGGAGAAAAGTGCTCTCCAGCTGAGAAGAAGGATGAC  
CAGAAAGCCGTGGATACACCATTGATAAAGTCTATGTCTTATTGGAATTCTGGTCCTTAGTACTTGGA

>trans\_c\_8494 Z93765|M.domestica mRNA for lignostilbene dioxygenase-like protein

GAGATCCGATGCCCAAGATTTCTGGGAGTGGCAAAGCTCGACATATCTCAGGAAGAACGTCGAGACTGCATCG  
TCGCTTGTAGAATTTCTCGACCTGGTTGCTATGGCGGGGAGCCGTTTTCTGTGCCGAGCTCCCTTTTT

>trans\_c\_8495 NM\_001050271|Oryza sativa Japonica Group Os01g0652100 (Os01g0652100) mRNA, complete cds

AATGGACATGCTCATCTTCAACACTTGGCATTGGTGGACTCACACCGGAAGTTCTCAACCATGGGATTACATTC  
AAGACGGAAACAGAGTCGTGAAAGACATGAATCGTTACGTAGCCTATTACAAAGGACTCACTACAT

>trans\_c\_8496 Novel Gene

AATGATTGATAGTTTTTGTGTTGAATCCTGGAATCCATGGGATTACTTCTTCTTTATCACTGAATGCAGCTCTTGA  
TGTTCTGTAAATCCGTCTCAAGTTACTACAGCCGTTCTGGTCTGATGATGATGTAACAACCGGCG



>trans\_c\_8497 NM\_001188943|Oryza sativa Japonica Group Os09g0458800 (Os09g0458800)  
mRNA, complete cds

TAGACCCAGATGGTTCGATTGAGCTTGAGCGAGATGGTGAAGGCCTTCGGGTTCTTTGGCAGTATTCTTCCTTT  
CTACAAAGCACACTATGGAATGGCTCATGCTGATGAGAATGGCGATGGCCGTGCTAGGCTCCTCCTC

>trans\_c\_8498 NM\_001052414|Oryza sativa Japonica Group Os02g0146700 (Os02g0146700)  
mRNA, complete cds

TCAGTATTGGCACTGACAATGTCTGCAGAGGGAGAACGGGAAAGCCTGAAATACAGATTATTAGGTTTCAGAA  
GGTGATATTGGTTCATGGGGTCATGAGTATGTAAGGAAGTGGCTGGAGAGATTGCTCAAGAATACAC

>trans\_c\_8499 FN563099|Bathycoccus prasinus plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene,  
tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain SCCAP K-0417

CACACTGGGACTGAGACACGGCCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTAGGGAATCTTCCGCAATGGACGAA  
AGTCTGACGGAGCAACGCCGCGTGAGTGATGAAGGTTTTCGGATCGTAAACTCTGTTCGGCTTTCAGC

>trans\_c\_8500 EU379346|Solanum lycopersicum thiamine biosynthesis protein ThiC (thiC) gene,  
complete cds, alternatively spliced

AAAAACACAAGAACCGCCCTCTCACGCTAGTTTCAGGGGGATCAAAGGTTAAAGTGGCTCTAGGAGCTAAGG  
TAATTGATGAAGGGTGTAAGTCCTTGATGTACTGGCAACACGCCCAACCACGTCAAACCCAGGCAAG

>trans\_c\_8501 Novel Gene

TCAGATCATGAGATCAGGGTGCTTAACCAAGATATCTCCAGTTCACCATCAGCGGCTAGTTTGTCCAGTCCTAG  
ATCTAGTGGCACTGCTGACAGCAGCATTACTTTTGCTTCTGTGCCTTATTCCTTTGAGGCCAACCA

>trans\_c\_8502 AP009367|Aethionema grandiflorum chloroplast DNA, complete sequence

CAGCGGTTGCTGAATATCAAAAACCTTATTACACAAAATCCTATTTTTTTAGAACGAGTTGAGGGAGTAGGTATT  
ATTTCTGGAGAAGAGGTCAGACGCCAAAAACCGCTGAAGTTGGCATCGTAGATCCTTAAAAATGGT

>trans\_c\_8503 XM\_002871333|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mthsc70-2, mRNA

GAGCTTCGGGGGGATCGGAATTCGATCCTCCGATGGATAATTCCTTGCAGATTAAGAGAATCTGACAATGAAC  
AAAGACATCTCAGAAAGCCAGTTCCTCATTTATCCCGTAGGTTCTTGGCTCGCTATGATGTCTACAC

>trans\_c\_8504 AY302084|Saccharum hybrid cultivar Pindar cell wall invertase (Shcw1) mRNA,  
partial cds

GGAAATGAAAGAATCCGGAGTACGGCCGTCCTCCCCGCGGTAAGTCCGACCCCTGTTAGAGCTGAGCATTGACT  
CGTCCGTCCAATAATTTCTAGATGCGTCTCTGGTTGGGCCAGTAAAGCGTCGCGGCGCTTATAAAGG

>trans\_c\_8505 NM\_114732|Arabidopsis thaliana GSA2 (glutamate-1-semialdehyde 2,1-  
aminomutase 2); catalytic/ glutamate-1-semialdehyde 2,1-aminomutase/ pyridoxal phosphate bi->  
(GSA2) mRNA, complete cds

TAAGCCTTCTCTCCTTGACCTCAATCTGCCTCTACTTTCTACGTTTTCAATTTCATACTCTTTTTCTACTACTATTT  
GCGCCAGCCTTATGATCACTTTTTTTGATAATCCTTCTTCTTCGGGGGGTCGCAGTGACCAC

>trans\_c\_8506 U21139|*Pisum sativum* chaperonin precursor mRNA, chloroplast gene encoding chloroplast protein, complete cds

TCACCAATGCAAGGGATCTCATTAACATACTGGAGGATGCTATCAGAGGTGGCTATCCTGTTGTGATAATGGC  
AGAGGATATTGAGCAGGAAGCTCTGGCAACTCTTGTTGTAAATAAACTGAGAGGATCTTTGAAGATA

>trans\_c\_8507 Y17796|*Pisum sativum* mRNA for ketol-acid reductoisomerase

GGAATTCGAGAGAGCATACAGTGCATCATATTACCCATGTATGGATATTCTCTATGAATGTTATGAAGATGTT  
GCCAGTGGAAAGTGAGATCCGCAGTGTTGTGCTTGCTGGTCGACAGCTTTATGAAAAGGTCCCACTCC

>trans\_c\_8508 GU012392|*Isolepis setacea* voucher Faden 96/417 (K) internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAGGGTACTCATCAGGCTTATGCCTCACAAACGCAATGAGGTGTTGAAAATGGTTGAAGTTAGTTGAATAGA  
CATCTCGAGCGCGGTACTATTCTCGGCTCTCGCATCGATGAAGAACGTAGCGAAATGCGATTCTTCG

>trans\_c\_8509 NM\_001071755|*Oryza sativa* Japonica Group Os11g0100200 (Os11g0100200) mRNA, complete cds

GGACGTGGGAGTGGGAGTGGGAGTGGCAGAGGTCGTGGTGAGAAGTTATCAGCCGAAGATCTAGATGCGG  
ATTTGGACAAGTACCATGAAGAAGCGATGCAGATCAATTAAATCATTGGTGTCATTTTCTGGGGCTTGA

>trans\_c\_8510 GU253311|*Zea mays* mRNA sequence

GTTTAACCAGATTCAGAAAGCTACACATAACATCAAAAGATAAACGAATAGATTATCTCAGATCAAGTGTTGGA  
TTAATAGTATTTTGCTTCATCCTCATCCCAAGCCAGTTATCCCTGTGGTAACTTTTCTGACACCT

>trans\_c\_8511 AY880437|*Gossypium hirsutum* ultraviolet-B-repressible protein mRNA, partial cds

AGGTGCAGTTATCGGCGTCGCCAATTTGATCCCGTCAAGCGGACCTGAGCTGCGGAGGATCACATTCCACCA  
ATTATGTTATCACTTCCATTCATGATGTTCCATTCCCCTGTAGTGGTAGTTTCTGTGTTTTGTGTG

>trans\_c\_8512 NM\_001056658|*Oryza sativa* Japonica Group Os03g0352400 (Os03g0352400) mRNA, complete cds

GTTTTGTGGCACTCGTACCACACCCCTTAAGCACAAATATCAGTTTCAGTGTGCTATTTTGATAAACAACTCCCG  
GGCAGTCAATCAAGAAAATCCTCTTTGTGAGAGTTATATATTGCCAACTTTAGTTTCTCCTGGA

>trans\_c\_8513 AB243086|*Codonopsis lanceolata* mRNA for sulfite oxidase, complete cds

TGAAGGCAGATGTGGTAGTGACCGACCATAGTCAGAATGCTGCTGTATCAGAAAATTCAGCAATGGAAACGG  
CACCATTAGTTGGTCACGATTCTTCTGTTAATGGAAGTGTGCTACTGAATCAGTCAATGCCTCATCA

>trans\_c\_8514 HM122429|*Malus x domestica* ALF domain class transcription factor (ALF2) mRNA, complete cds

AAGAGGAAGACGAGGAAGAACACGGAGAAACACTTTGCGGAGCTTGTGGAGAGAATTATGCATCAGACGAG  
TTCTGGATTTGCTGTGACATATGTGAGAAATGGTTTCATGGGAACGTGTGTCCACGACAGAATTACCTC

>trans\_c\_8515 AJ248327|Medicago sativa subsp. X varia mRNA for L3 Ribosomal protein

CAGGGAGGTTGAGAAGCCAGGATCTAACTCCACAGAGAGGAGACATGTGAGCCTGTGACAATCATTGAGA  
CCCCACCGATGGTGATTGTTGGTGTCTGTTGGATATGTGAAGACCCACGTGGCCTGCGCACCTTGTATG

>trans\_c\_8516 EF373047|Nicotiana tabacum subtilisin-like protease (SBT1.1B) mRNA, complete cds

TGGACAAGGCTGTGGAAGACAATGTTAATGTGATGTCCATGTCTGCTGGGGGTGGAGTATCCGATTATTACA  
AAGATAGTGTGGCCACCGAGCCTTCGCCGCCATGGAGAAAGGCATCCTTGACCTCCAAGAGTACTT

>trans\_c\_8517 EU096498|Cucumis sativus cultivar Jinyan 4 stachyose synthetase variant 3 mRNA,  
complete cds, alternatively spliced

GGGACATGTTCCAATCAGACCATCTATGTGCCAAATTCCATGCAGGATCAAGAGCCATCTGTGGAGGTCCTGT  
GTATGTGAGTGACTCAGTGGGCGGCCATAAATTGATCTCATAAAGCAGCTCGTGTATCCTGATGG

>trans\_c\_8518 AY104759|Zea mays PCO076392 mRNA sequence

CATGGACAGAATTTGGTGAATATACTTGCTAGAAATCAACCGAATCCTCCGTCCTGGGGGTTTCTGGGTTCT  
ATCTGGTCCCCCTGTCAACTATGAAAATCGTTGGAGAGGATGGAATACTCAGTGTTCTCCACCCT

>trans\_c\_8519 XM\_002866195|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

CTCGTGTTACTCATCTTGAGCGTCAGGCAGGAGGGCAGGTGAAAGGTATGGGTGAGAAACAAATTGAAGTG  
GATAAGCGTATCTTACGAACACAAATTGGTGTCTCCGTAAGGAATTAGAGTCTGTCAGGGTGCATCG

>trans\_c\_8520 DQ269451|Stevia rebaudiana IPP/DMAPP synthase (ispH) mRNA, complete cds

GGCACGAGACGGCTTTAACCAGATTTTCTCATCAGGAAATTGTTTTCTCGCTTCATAAGCAATCTGAACTGCTC  
GCTCGACTCCCCAACAAAATCCATATGCTTCCGCCAGTTTACAGTAACATCTCCCCACGTATAC

>trans\_c\_8521 DQ673267|Jasminum mesnyi NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene,  
complete cds; chloroplast

AATCAAATCACCATCTGCATAACAAAATGAACAAAACAGAGAGAACTCTTCCGTAAAATCTCTCAACCCAA  
CCGAAAACGCCTATCGAAACGTTATCCAACAGCTGAATCTTCTTCCAATTCACCAAACAGAAAG

>trans\_c\_8522 X63066|T.aestivum U6 snRNA gene

GTCCCTTCGGGGACATCCGATAAAATTGGAACGATACAGAGAAGATTAGCATGGCCCCTGCGCAAGGATGAC  
ACGCACAAATCGAGAAATGGTCCACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTGTC

>trans\_c\_8523 XM\_002989214|Selaginella moellendorffii flagellar associated protein 234 (FAP234),  
mRNA

ATTGGGCGAATGTTCCCGAACGAGAGAAGTGGAAGACACCCATGGAGCGGGAGAGGTGAGAATATCTGAA  
CAAATAAGGTTATGAAGGCTCCGTAGGAGTTGAGAAAGAGGTCCCATAGTTAGACTCGACTTACAATC

>trans\_c\_8524 EU382999|Populus euphratica Na<sup>+</sup>/H<sup>+</sup> antiporter (NHX2) mRNA, complete cds

CACACACACGTTCTCACGGACTCCACCGGGTCTCCTCAAGAAGATGACCAATGACAATACAAGCACAGAGAAG  
TGCCACAAACAAGTTAATGGAAACAACAGAAGCATGATCAGAAGTGGACAACGCTTGCCATTTAGA

>trans\_c\_8525 Novel Gene

TAGACGACACAGAGAAAGTGAGATACAACAGATTTCTGGGAGTGAAATCACATATGCTCAAGAACTTTCAA  
AGGAGCAATAACCAATTTCTTGTCTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTAAAGGATTCTCCGT

>trans\_c\_8526 EF207454|Pterostemon rotundifolius inverted repeat B, partial sequence;  
chloroplast

TTTTACGCAAGCCTCTGTTGGCGTTTGCCTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTTTCACGGACATTC  
GTAAGTCCCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACATCCCACAGCTTC

>trans\_c\_8527 AB158416|Arabidopsis thaliana nef1 mRNA for no exine formation-1, complete cds

CAGATGAAGTTGATGCTCAATGCCATTCAGAAATTGGAAGCAACCACGTACGGAAGAACAACACTACTGTTGATC  
AAGAAGATTATCGAATAACTCCTATGAGTTCAAAGCAACCATATTCCAATGGCAAGGTGGACCCTC

>trans\_c\_8528 EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA,  
complete cds

CTAACCCAAATGTGGCATTTCAAACCAACACTGGAGGCAACAATGTTGGATCAGGGTTGCCAATGGACCCTAA  
CTCTGGTATTTACCCCTATGGTGGCAATGTAGGGGCTCAATCTGCACCTGTGGTTGCCAATAGACC

>trans\_c\_8529 XM\_002519929|Ricinus communis 2,3-bisphosphoglycerate-independent  
phosphoglycerate mutase, mRNA

TACTGAAGATGACATGGGTAACAGTGAAGTTGGACATAATGCACTTGGTGCTGGACGATTTATGCTCAAGGT  
GCAAAGCTTGTGACCTTGCTCTTGAATCTGGAAAAATATATGAAAAGAGGAACCCTGTTATGTAC

>trans\_c\_8530 NM\_126762|Arabidopsis thaliana cytochrome b (MTCYB) (COB) (CYTB) (AT2G07727)  
mRNA, complete cds

GAGATGGATAAAATCGCTTTTTACCCTTATTTTTATGTCAAGGATCTAGTGGGTTGGGTAGCTTTTGCTATCTTT  
TTTTCAGTGTGGATTTTTATGAGAAGCCGTGGGGTTTTACGGGGCACCCGTATATACCTGGGC

>trans\_c\_8531 X75579|Solanum tuberosum nad7 gene, partial

CGCGGGCGAAGGAGATGCATTTTATGTACTGGTAGTACTGGACAAGCTCAGAGGGAATAATCTCTTTCTTCTT  
TCTTCTTTCTTTCCCATGACGACTAGGAACAGGCAAAATCAAAATTTCACTTTGAATTTTCGGTGG

>trans\_c\_8532 AY217657|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, partial cds

CACGGACCGACGGTCGCATACACAGCGGACTGCATCGACAACCGCAGCAGCATACTCTTCGAGTCCATAAGC  
AACAGATAACTCAGAGTCCGAAGACTTCGACCCGTCATAGTCAATACCCAGACCACCTCCAATGTCA

>trans\_c\_8533 NM\_001065430|Oryza sativa Japonica Group Os07g0148900 (Os07g0148900)  
mRNA, complete cds

CTTTGAGCCAATGTTTCCGCTTAACCTCACAACACCGACGCCAATGATGTGGCCGACACTGCCACATGCCAAA  
GTATCGGCGAGGGTGAAACCCGCTGGGTACCCGTCTGTAGCCCAGAGTCCCTCGCCTCCAGCTTC

>trans\_c\_8534 AJ007728|Orobancha minor chloroplast trnV(GAC) gene, 16S rRNA gene, trnI(GAU) pseudogene, trnA(UGC) pseudogene and partial 23S rRNA gene

GAGCCAGGATCGAACTCTCCATGAGATTCATAGTTGCATTACTTATAGCTTCCTTGTTTCGTAGACAAAGCTAAT  
TCGGAATTGTCTTTTCATTAGAGAGAGTTGTCTCGCGCCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACCTG

>trans\_c\_8535 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

GCAGCTGCTGTTCTGCGCTTCTTCTTCTCCCCCACAACAGCTTTGGATGAACATTTAGTTGCAGGGCTACC  
AGCTCTTGAGCCATATGCACGCTTATTTTCATAGGTATTATGCCATTGCTACTTTTGACATTGTTT

>trans\_c\_8536 XM\_002873779|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pyruvate decarboxylase family protein, mRNA

CATGTTTGGCGTCGTCGGAATCCCTGTTACCTCTCTGGCCACTAGGGCAGTTTCTTTAGGAATTCGATTCATTG  
CCTTTCATAACGAACAATCGGCTGGCTATGCCGCTTCTGCTTATGGTTGTCTAACGGGCCGCC

>trans\_c\_8537 EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA, complete cds

AAGTTAAGTCTCAGAAGTAAGTAGATGGATCGAAGGGATCCGATGGCGTTATCGGGGTCGCAATCGTTTTAT  
ATGCAGCGGGGAATTAGCAACTCTGGCTCTGGAACACAGGGTTTGCCTTCTCTACTAACAACCCAC

>trans\_c\_8538 FJ573219|Eichhornia crassipes plasma membrane H<sup>+</sup>-ATPase mRNA, partial cds

ACAAGAACTTGATTGAGGTGTTTGTCAAGGGTGTTGACAAAGAGCATGTCATTCTGCTTGCTGCAAGGGCATC  
TAGGACTGAAAACCAGGATGCAATTGATGCTGCCATGGTTGGAATGCTCGCTGACCCAACGAGACG

>trans\_c\_8539 AF244549|Adiantum pedatum 16S ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

AGGATGAACGCTGGCGGCGTGCTTAACACATGCAAGTCGAACGAAAGGCCCTTCGGGGTACTCGAGTGGC  
GAACGGGTGAGTAACACGTGGGTGATCTGCCCTGCACTCTGGGATAAGCCTGGGTTGTCAACACGGGA

>trans\_c\_8540 M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
1-2

AACTATTGCCCATTTATTCTGGAATCATTTTTTGAGGAGGGACAATTTGACATATTTCTGCCAAATACTTCTATT  
ATTAAGTACGGCTGGTACCATTTCGATGTGTTTTGCGGGGGAGGTAAAGAGAGGTTTGTGTGA

>trans\_c\_8541 EF672640|Gossypium hirsutum fasciclin-like arabinogalactan protein 14 (FLA14)  
mRNA, complete cds

AGGCCCATCTATCGCTCCGGCACCGGCTCCCGGCCCGGAGGACCCACCACCACTTCGACGGCGAGCGGCA  
GGTGAAGGATTTTCATCAAACGCTGCTGCATTACGGCGGCTACAACGAGACAATCAGTGCAAATCAG

>trans\_c\_8542 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

ATATGCTCTTCCAACACAACCGAACGAAATCCAGGTTGTGGGAAACCGTATCCAAGCTCCGTGGCTAGTCTGC  
GCTCTTTGGACTTTTCAAAGAATCGCTTGACTTTGTAGATAGCGCGCCCTCCCCCTTAGTTGGC

>trans\_c\_8543 NM\_124165|Arabidopsis thaliana RBOHD (RESPIRATORY BURST OXIDASE HOMOLOGUE D); NAD(P)H oxidase (RBOHD) mRNA, complete cds

GGTAATTGACTTAGAACTCGGCTGTCACTCACTCTTACTGATTGATTTGGAGCTTGTAGTAACAGAGTTTCCAG  
ATTTTGTATCATGATGTACCCAGCATTTCCAGGGTCGAGTCTTCCATGATTAAGGCGGCGTATT

>trans\_c\_8544 BT005355|Arabidopsis thaliana At5g66675 mRNA, complete cds

GAGCTCTCAATTCCTGCTGATGGAGTTGCGGTTGGGTCGTTGTCAATGGATGCACTCATGGAGGTCCTGA  
CTTCTTACTGGAAATGAATGGAGATGCTGTCAAGATTATCCTCGAAGACGGAGAGGATGTTACAGT

>trans\_c\_8545 NM\_001175665|Zea mays LOC100382981 (IDP87), mRNA

GCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGGGTTGCCCCGGGACTCGAACCCGGAAGTAGTCGGATAAGATTTGGCTA  
CCTTAAGAGAGTCATAGTTACTCCCGCCGTTTACCCGCGCTTGGTTGAATTTCTTCACTTTGACATT

>trans\_c\_8546 XM\_002330091|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca4  
(Lhca4), mRNA

AAATGGGGAGACTTGCGATGTTGGCGTTTTTTGGGGTTCATAGTGCAACACAATGTGACAGTACCCTTTAACGG  
GTACAATCTTTTGCAACACATCTCAGACCCATGGCACAACACCATTGTCCAGACCGGGTGTGGCAA

>trans\_c\_8547 EU982507|Panicum virgatum strain 1186 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGTGCGGTAGGGGAGAATGGAATTCCTGGTGTAGCGGTGGAATGCGCAGATATCAGGAGGAACACCGATGG  
CGAAGGCAGGTCTCTGGGCTGTAAGTACGCTGAGGAGCGAAAGCGTGGGGAGCGAACAGGATTAGAT

>trans\_c\_8548 HM363120|Chasmanthium latifolium 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, partial  
sequence; chloroplast

GGGATCCCCATCAGAACTCCGCAGTTAAGCGTGCTTGGGCGAGAGTAGATGATTCAACCCACTGGTGAACCCCT  
TCAGACACAGGTGGGTAGGTAGAGAATACCTAGGGGCGCGAGACAACCTCTCTAAGGAACTCGGC

>trans\_c\_8549 GQ998791|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 4.5S ribosomal  
RNA (rrn4.5) gene, complete sequence; chloroplast

GCAACGCAAGGGCGACGCTCGAAAGCCCCAATTTACCTAGCGGTGGATGGGCCCTCCCCCTAGAAAAATAAA  
TTTAATATGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGAGCATACATCACTGCACTTCCACTTG

>trans\_c\_8550 EU373036|Gossypium hirsutum gland development related protein 45-like mRNA,  
complete sequence

ATGGGATATTGGGATTAGGTCAATTTAGACTATTGAAGAGACTGGGATGTGGGGATATTGGAAGCGTCTACC  
TGTCGGAGTTGAGTGGTACTAAATGTTATTTTGCTATGAAGGTCATGGACAAAGGGTCTCTGGCAAG

>trans\_c\_8551 NM\_001188882|Oryza sativa Japonica Group Os09g0380000 (Os09g0380000)  
mRNA, partial cds

TTTGCTCCACTGGAGAAGCATCTAGCGTAGATGAATACCTATGGCTAATGGGAAGAGCTTGCTATAAGCCTA  
TCATCGAATATTGTGGTGGGACAGAGATTGGTGGTGGATTGTACAGGGTCAATGTTGCAGGCTC

>trans\_c\_8552 FJ014479|Camellia sinensis 50S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

CGGTGAGAGTTAAAGCCTTGGCTAGTGCCGGTGGCGCTATAGTGCTTGTGGAGAAGGCAGAGGCCGAGAAG  
GTCAACCGGCTTAAATCCAATTACATTGAGAAAATCGTGCCGTTGCTTATTTTCATCTGGAGAAGCAGA

>trans\_c\_8553 Z26251|H.tuberosus mRNA for NADPH-ferrihemoprotein reductase

ACCACATTGTGCAAGGTGCAAAAGGTGGTGGCAATGAACTTCCACTTAACGGTGTGCCGTCTTCCTTATCAGT  
ATGGATGGAGAAATATGTTTCAGGTGACATACCAATTAAACGAATAGCCTCCTCTACAACCTTCATC

>trans\_c\_8554 XM\_002885635|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata fata acyl-acyl thioesterase  
(ATFATA), mRNA

TATGGGAATAAGCAAGATCGATTAGCGCAGACATAAACAGCAGAACCAAACCTCTTTGGATTACAAATCCCCCT  
CCCGTCTTCTACAGAAATCACAATAATTTTGGCAGTGTACAGAGACATAGGCCCATATACGCTTA

>trans\_c\_8555 XM\_002881310|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata beta-tubulin R2242-rice, mRNA

ACCACCAGAGCTTCTCCCTATGGCCGTTATACCCCCAACCATAAAGAAATGTAAACGCGGGAATGGTATGAG  
ATTAACAGCAAGCTTTCGTAGATCGGAGTTCAATTGTCCAGGGAATCTTAGACAACAAGTAACACC

>trans\_c\_8556 AF091456|Glycine max nodule-specific glutamine synthetase gene, complete cds

TTATGCATCATTATAAGAAAATAATAAAGAACAATCACATTCGATCTATATTTAGACTCTTAAGCATAAGGTTG  
TTTAAACGGCAATCTATAGTCTGATATCGAATATTTTCCATATATCTTATAATATACGCGAAT

>trans\_c\_8557 HM122456|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH2)  
mRNA, complete cds

GTGATCTTACCCTCTTCCGGTAAGGTAAAATCAGGCGATTCCGACCACTCAGATCTCGAAGCATCAGTGATCA  
GAGAAGTAGATAGCTGTACAAAATCATTAGAACCCGAAAAACGTCCAAGAAAAAGAGGGCGAAAAA

>trans\_c\_8558 NM\_001059944|Oryza sativa Japonica Group Os04g0533300 (Os04g0533300)  
mRNA, complete cds

CGGCTGCGGCTGAGCCAACCAAGACGACGTGGCAGAGGAGAAATCAATTATCCCCTTACCCCCACCGGAGG  
ACGAGAAGCCC GCCGATGACTCCAAAGCTCTCGCAATCGTTGAAAAGAGTGATGAAAAAGCAGAGGA

>trans\_c\_8559 CP000596|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 16, complete sequence

CAACTTAGCGAACTGAAAACATCTAGATAGCTAAGAAGGAAAGGGCTGGTTAGAGTTTTTGGAGTAGCGGCG  
AGCGAGAGCGGATTGGGGGTTTTAGACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTTACACAGTCTTACTCC

>trans\_c\_8560 EU586191|Malus x domestica cultivar Fuji F-box-containing protein 1 mRNA,  
complete cds

GATTATCGGATACCTTCTCAATGGGGGGAGCTTGTTCTAGGAAGAGAGACCAGCTAGATAACGAAGACAGTT  
TGCCTAGAGGAGTATCTGGAATACTGTAAAGTGGGAGTTCCGTTACGTTGATGGTCGTGCCCA

>trans\_c\_8561 AB254806|Triticum aestivum TaPPO gene for polyphenol oxidase, complete cds

TGAAGCTTTAAGTTGAATCCAATATTGCCCCGCGGAGCGCTAGTGTCGCCCCGAGTTCGACAGAGACGGGGAG  
GCGGAGGCAGGGGGGAAGGGTCCATCAAAGAGGATCTGAAAAACACCGCGCTCCGGTGCCTTCCTC

>trans\_c\_8562 X80170|*O. berteriana* rpl2 gene

CGGCCACCTTTGACGTTAGAAGAGCAAAAGGCCCGGGGCATAGCTGGATGAACCAATGTGAATGAGTGTGAC  
CTTCGTGACCCGAAGACGATTGGTGCTGACCACACTAGGTGCTACCGTGGCGATGGAGACTAGGTG

>trans\_c\_8563 AF492468|*Nicotiana langsdorffii* x *Nicotiana sanderae* nectarin III (NEC3) mRNA,  
complete cds

TTTCTTGCCTTCTTTTGGTTTTATGGCCTGCAATGTCTCAAGAAGTTGAAAATCAAAGAGAGTTCGATTACAA  
TACAAATGGAACGAGAGGACCTGCACATTGGGGAGATATTAGACCAGAATGGCATACTGTAG

>trans\_c\_8564 AY968421|*Seyrigia humbertii* 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCTGCGCGCTCCTGGCATCGGTGAAAGGATGAAAAAATCAGACGGAT  
TCCAATGATAATCCATGATATTACAACCAGCTACTTCTGATCACGCTTGGGAAGCAAGGCGCGAG

>trans\_c\_8565 NM\_001073957|*Oryza sativa* Japonica Group Os11g0195600 (Os11g0195600)  
mRNA, complete cds

TTTGATCTTCTAGATAATTTGGGTGGCCTGCATTGTACCGCCGTTGAAGTTGTTTGAGGCGATTTTGGTATTTG  
TGCTTTTGCCCTCGCACTCTCGCACGGCTCCGGCTCTCCGTCGCTTTATCGCTTTAAACATGT

>trans\_c\_8566 AM779938|*Phaseolus vulgaris* mRNA for asparagine synthetase type III (as3 gene)

ATACGCTCGAAGTCGGTGAAAATGATCAGGCGTGATATTGGGAGAATTGAGAAATGGATCTTGCGCAATGCA  
TTTGATGATGAGAAGGAACCATATTTGCCAAGCACATATTGGCACTTACCCCTGGGTAAACTG

>trans\_c\_8567 NM\_103587|*Arabidopsis thaliana* BGAL5 (beta-galactosidase 5); beta-galactosidase/  
catalytic/ cation binding (BGAL5) mRNA, complete cds

AGGGGAGGTACGATCTCGTACGTTTCATAAAGACGGCGCAGAGAGTGGGTCTTTATATTCATCTCCGTATAGG  
ACCTTATGTTTGTGCAGAGTGGAATTTGGTGGATTTCCTGTTTTCATACAAGGTGGAA

>trans\_c\_8568 AB264096|*Prunus persica* PpPL2 mRNA for pectate lyase, partial cds

GGAGCAATTGCTAGAGTTCCCAAAGAGATTCTGAAACTGAGAATGGAGGAAGTGAGAAGTTGCAGAGCTC  
AAGCAACTCAACGATGGCGGTGAGGTTGGATGAGACTAAGGATCTCGGTAATGAGCATGCTGTGGAC

>trans\_c\_8569 NM\_122400|*Arabidopsis thaliana* CYP714A1; electron carrier/ heme binding / iron  
ion binding / monooxygenase/ oxygen binding (CYP714A1) mRNA, complete cds

TGGCGAGGGAGACGTTTGTGAGACACAACCTCGGGAATGTGGTGGTTCCAAAGGGCGTTTGCTTATGGACTT  
TAATTCCGATGCTGCACAGAGAAGTCGAACGCGTTTCTTCTACGGTTATTCAAGTTCCCAGAAT

>trans\_c\_8570 EF416033|*Sesbania rostrata* cDNA-AFLP fragment 036BT34M23-272.4 genomic  
sequence



AAGGTGTGAACCAGATAGAACGTCCTAGTCTCGAACGGCTCTTTAGAGGACATAGGACTCTAGGGAAATCTT  
ATCTTGAGGTAGGCTTCCCGCTTAGATGCTTTCAGCGGTTATCCCTCCGAACATAGCTACCCGGC

>trans\_c\_8571 XM\_002949709|Volvox carteri f. nagariensis intraflagellar protein IFT172 (ift172),  
mRNA

TGTTGTGGAGCGATTTGAGACCAATTAGAATGCGGTAGGTAGAGTTCTGATTCATCGGTCGAGATGCGCTGG  
GGGCTCGCCAGCCGAGGGGGTTGAAGAATCTCCCTGAAGACCGCAAGGAAAAAATCTCTCCCA

>trans\_c\_8572 AY254569|Gossypium barbadense auxin responsive protein IAA-Re (iaa-Re) mRNA,  
complete cds

TATAGGTCAATACTCCGAGAGGGAAGGTTATAAGGGATCTGATTTTGTCTCAACTTATGAAGATAAAGATGGT  
GATTGGATGCTTGTGGGTGATGTTCCATGGCAAATGTTTATTTTCATCTTGCGGAGCCTACTCTTA

>trans\_c\_8573 GQ997614|Nelumbo nucifera voucher FLAS:S.B. Davis 1076 ribosomal protein S16  
(rps16) gene, complete cds; chloroplast

GGGCTGTGACAATCAATAAGTTAAACTACTTCGTAAGTATAGGTTTCGGTATACAAATCGAAAGGATCCAATT  
CGAACAAAGTTTCAAATTCAAACATCACCGGTTTCGGCCTTCAAGCGAACTCCGTGTGACTCACACT

>trans\_c\_8574 NM\_001123745|Arabidopsis thaliana BGLU11 (BETA GLUCOSIDASE 11); catalytic/  
cation binding / hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds (BGLU11) mRNA, complete cds

TATAACCTACATCGATTTCAAACACAAAACCTTTGGAACGAATCCCAAACATTCAGCAAGGTGGTTCAACCATT  
TCCTACATACTTGAAGATGGTTCAACCAACCCCTCAAAGACCCCAAAGTCCCTGTCCAACA

>trans\_c\_8575 EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted  
repeat, complete sequence; chloroplast

GGCACCGTGCAAAAGGTTGTTTGTGTAAGATTAATGAACAAACACCCGTGTCTGATTTTAATGCCAATTTCAA  
GTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACTGCACTTCCACTTGACACCTATCG

>trans\_c\_8576 AY103299|Arabidopsis thaliana AT3g27090/MOJ10\_18 mRNA, complete cds

GGCTCAGGTAGGCTCAGGTAAGGATCCGCATCAGGAACTCTGCAGGGCACTAGAAGAAGATTCCTTCCGGC  
CAGTCTTGCACTACGACGGTCCAAAATCCGTCTGAACTATCAATCCCTGAGACATTGGATC

>trans\_c\_8577 Novel Gene

TTCCGGTCGAATAGCGCTCTAACACATTATACGCAAGAAAAGCACCTAAAGTACTAAACAGAATAGGTATTAG  
TTTGATAATGGTTGGAGCAGCAAACCTCGGATTCGGCAAGAATCTCATTTTTGGGTAGTACGAAGA

>trans\_c\_8578 FJ154953|Brassica napus insertion site for transgenic line T45 genomic sequence

AATCCTTAGAATAGATTCAAATAATCTATCATGATTCTAATGACTCATCATAAGTTGTTTCCTTGAATTCAAAA  
TATTCCTATTTTTCATTATTCCAATCAATATATTTCTAAATCCCTCAACCTGGGGACGGGTCT

>trans\_c\_8579 EU127480|Solanum tuberosum acireductone dioxygenase (ARD) mRNA, complete  
cds

CTTTGCTGTCGCTATCCATATACCATGCCTGAATCACTTCCTCCCTTGGATCCTTGTGCGAGAACAGCCATCGTCA  
ACTACAACCTTCAGCCTCAGCTTGAGAGAAAAAGAGATGAAAAAATCCCAATCAAATTCGATT

>trans\_c\_8580 AY883652|Ceratodon purpureus isolate w3 adenosine kinase (adk) gene, partial cds

ACTAGTGACAACAAAAGAGACAAATGCATCTATTGAGCCTCTCAAGAACATGGAGCAGCCAAATGAAGTTATT  
TCTCAGAAAGAATCGGTGGAAGTTATAGCACAAAGAGGTTTGTGCACCTTTTGACCCTCCTAAGAA

>trans\_c\_8581 EU165708|Eucalyptus grandis cellulose synthase (CesA1) mRNA, complete cds

ACCTCGGTTCTCTTCTCATGTATTGTACCTTACCAGCTGTGTGTCTACTGACGAACAAGTTCATTATTCCCCAG  
ATAAGTAACATTGCAAGTATATGGTTTTTAGCCCTCTTCTCTCTCAAACGAAGAAAGGCTTA

>trans\_c\_8582 EU935741|Solanum tuberosum alpha-tubulin mRNA, partial cds

TCTTATGCACCTGTGATCTCAGCTGAGAAGGCCTACCACGAGCAACTCTCAGTGGCTGAAATCACCAACAGCG  
CTTTTGAGCCCTCGTCTATGATGGTCAAGTGTGATCCCCGACACGGTAAGTACATGGCATGCTGC

>trans\_c\_8583 AY221087|Solanum tuberosum cellulose synthase (StCesA3) mRNA, complete cds

GGTCTTACCACCCCCACTCCTCAGTTAACCCACTTTGTTCCAGGGTCATTTGTGACATTAGCAAGGACTTCTCAT  
CATCAAATCCAGCACCTTCAACCACTTCTTCAATGTCGTCGAGATTGAAAATTGGCACTGTCTG

>trans\_c\_8584 AY832854|Pseudotsuga menziesii var. menziesii haplotype Pm-TBE\_412m2 thiazole  
biosynthetic enzyme (TBE) gene, complete cds

AAGTGTCCCGGGGAATGAAGGCCCTTGACATGAACACTGCTGAGGATGCCATTGTTTCGATTCACTCGAGAGG  
TCGTTCTGGCATGATTGTCACCGGCATGGAGGTTGCCGAGATGAGCACTCACAACACAATGGTTA

>trans\_c\_8585 DQ864495|Camptotheca acuminata hydroxymethylbutenyl diphosphate reductase  
(HDR) mRNA, complete cds

GGAGGAACTTGACAAAGAGTGACAACTACAACCGCAAAGGCTTTGGTTACAAGGACGAGACTCTGGCGCTCA  
TGAATCGCGAGTATACAAGTGATATCATAAAGACTCTCAAAGAAAATGGATTTGAGTATACGTGGG

>trans\_c\_8586 AY688721|Monoclea gottschei subsp. elongata 18S small subunit ribosomal RNA  
gene, partial sequence

TGTTGTGGAGCGATTTGAGACCAATTAAGGCATAACGAACGAGACCTCAGCCTGCTAACTAGTTACGCGACCC  
CCGAGCGGTGCGCGTCCCCCACTTCTTAGAGGGACTTCTGAATCCTTCCCCCTAAAGGACTC

>trans\_c\_8587 XM\_002311750|Populus trichocarpa SIN3 component, histone deacetylase complex  
(SNT901), mRNA

CATCATTCACAGGTGCATTATCCTGAATTTTAGGGTGTGGGAAATACTGCAGAAAGGATCTCCCTCCGTACT  
GTACGATCCGCATCATGGAACTATCTTCTTTGACTCCATTGTCCCCATTGAGGGGCCAAGTCC

>trans\_c\_8588 DQ099681|Solanum lycopersicum ethylene overproducer-like 1 (EOL1) mRNA,  
complete cds

AGCAGCAGCTCACAGTGCCTGAGCCATTCTTACTCTCTCCCCTGATTACCGGATGTTTGAGGGGAAAGCAGCC  
GCATCGCAACTCAGAACCCCTTGTGCGTGAGCATGTTAGTAATTGGACAACAGCAGATTGCTGGAT

>trans\_c\_8589 HM487888|Arabidopsis thaliana ecotype Tsu-1 indole-3-acetic acid inducible 28  
(IAA28) gene, partial cds

AATTCGCGAGATCCCATTGACTCGTTCCTTGAAGCATATAGTTCGCACAATGCAGGACAAAAGTATGAAAG  
AGAATGTCAAGAAATGATAAACTCTAGTACCCTCATTGATGTGACGCGGAACCGGCATGTCGTCG

>trans\_c\_8590 NM\_001053994|Oryza sativa Japonica Group Os02g0621300 (Os02g0621300)  
mRNA, complete cds

CATTTTCTCCTCTCAAGTATCTCATCTACACTCCCTCGTACCATTCACTACACCATACCCAATTCAGAACCAAC  
TATAGTCTATTTCATGCCATATATACTAATGGATATACCCTGTACCTGACTCCGGACTGCGA

>trans\_c\_8591 NM\_100188|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein / beige-related  
(AT1G03060) mRNA, complete cds

GATGGATTGGTTTGGGTTTGGAGAATTACCAAACAAGCACCCCGGCTTGTTAGAAGATTGCAGTTGGAGAAG  
GCACTTTCTGCTCACACAGCGAAAATCACCTGCCTTACGTGAGTCAGCTCCGTGCATCAGCCATC

>trans\_c\_8592 GU228586|Zea mays cultivar 18-599 trehalose-6-phosphate synthase-like (TPS3)  
mRNA, complete sequence

TGACAAGGACTGGAGGGTACAGGAGCTCAAGCGACAGTTTGAAGGAAAAGTTGTGTTACTTGGAGTTGATG  
ATATGGATATTTTAAAGGGGTCAATCTGAAGTTGTTGGCAATGGAACATATACGACACCCACAACC

>trans\_c\_8593 XM\_002881310|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata beta-tubulin R2242-rice, mRNA

TCAGTCTGGGGCTGGCAATAATTGGGCTAAGGGACACTATACTGAAGGAGCTGAACTTATTGATTCTGTTCTA  
GACGTTGTCAGGAAGGAAGCTGAGAATTGTGATTGCTTGAAGGATTTCAGTTTGTCAATTCTTT

>trans\_c\_8594 NM\_001051790|Oryza sativa Japonica Group Os01g0925300 (Os01g0925300)  
mRNA, complete cds

ATCACTGTTAAGATCAAGTATTGTGATACATGCATGCTTTATAGACCTCCTCGCTGCTCGCATTGTTCTATTTGC  
AATAACTGCGTGGAAGATTGATCATCATTGTCCTTGGGTTGGGCAGTCATAACCAGACTCT

>trans\_c\_8595 DQ000202|Nicotiana benthamiana VIP2 mRNA, complete cds

TGTGGAAAATCATTAAATGTCAAAGGAGAGTTGTCATTGGCGTTCACATCATTCAACATCCCCAAAGAATTCA  
AACTATTCACACTCTGCATGTGGCTTTGGGAAAGGGGACCTCCAGCACTGGGATAAGAATTACCC

>trans\_c\_8596 NM\_180354|Arabidopsis thaliana ACA1 (ALPHA CARBONIC ANHYDRASE 1);  
carbonate dehydratase/ zinc ion binding (ACA1) mRNA, complete cds

CAATTGCATTGGCATTCTCCTGCCGAACACCGTCTCAACGGAAAGCAATATGCAGCCGAGCTTCATCTAGTCCA  
TCAGGCAGACGACGGCACCTACTCCGTAATTGCAATCCTCCTCCAAATCGCGCTAGGGCTTGGG

>trans\_c\_8597 XM\_002879086|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-D-apirose/UDP-D-xylose  
synthase 1 (AXS1), mRNA

TTTTTATCCGTGATTGCATAAACCTCAGTCATCATTTTCAGCGAGCTGCTTCACTGTTACTTCATTGTTGGGGTT  
GCCCCACATTGAAGATTTGGCCATTGGACCTCGATGGGTTTTCAATCATCAAAAGAACTGCTTC

>trans\_c\_8598 NM\_001072669|Oryza sativa Japonica Group Os12g0143400 (Os12g0143400)  
mRNA, complete cds

TGTGGTGCTGTTATATTTTGGTATCAATCATAAAAGACAGTCTACAAGTTGATCCAGTAAAATAAGACTTCTTT  
GTATTAAATTCTACGAATCATTAACAATTTTTTTTTTTGTCTCGGAGGAGCTGCTAGGCCCC

>trans\_c\_8599 GQ998564|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 ribosomal protein S12  
(rps12) gene, complete cds; chloroplast

CTAACCCAATAACGAAAGAAAGCTAAGGGAACTGGAGCAGGCTACCATGAGACAAACAAAAGATCTTCTTTC  
TAAAGAGATTCGATTCGGAACCTATTATATGTCCAAGGTCCAATATTGAAATAATTTTCAGGAACCCC

>trans\_c\_8600 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

CCGGTAGGAATAAGAGAAAAGAAAAGTCCAGGTTGGTTGGTGAGCCTAGTGATAGGAACTATCTAGCTTGGT  
TCGGAGAGCACTTGTGGGTTCAATCTTTCTTCTTCTGCTAAATGTTACGGCCTAAATGCTAAACTA

>trans\_c\_8601 AY225824|Clitoria sp. Pennington 990 isolate 3 LEGCYC gene, partial cds

TTGTGTTGCCATTATGCAGCTTTTATTACTACAAGAAGATAATTCAAGTACATGCCCATGGATCCTGAATATAA  
CCAGGCATCGATATGGTCAATGCATCATCTACACCATCTCTCCACCATCCATACGTACATACGT

>trans\_c\_8602 NM\_105147|Arabidopsis thaliana CP5 (CP5) mRNA, complete cds

TCACTATGAAGATATGGGCATTCCATGGGAAATCGCTAAGCTTGGAGTTCGGCAGGGAATGTGGGGAACTGT  
CAAAAAGATTGATCCCGGCCTACGAGCATACCATTTTCTCTCTCGTAATTTAAGACGGTATGGTGT

>trans\_c\_8603 AY111072|Zea mays CL5330\_1 mRNA sequence

CGTTCAATGCATAAGGTCTTTATTTCTGAAGCTAATAATATTGTAATAGTATGCAAACTTGTCTATTTAGTCT  
GTAATATTTTTATTTGAGCGTCTCTTGTATGACCACCTACACCGGGCTCCGGTTGCGACTCGT

>trans\_c\_8604 GQ998697|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 ribosomal protein L2 (rpl2)  
gene, complete cds; chloroplast

TCTATGTTATGTATGGCCGTGCCTAAGGGCATATCGGTTGAAGTAGATTCTTCTTTTTGATCAATCAAAACCCC  
TTCCCAAAGTGTACAAGCTTCTTCCAAAGCATACGGCTTTCTGGATGTAGATGATGATATCTAT

>trans\_c\_8605 AM748036|Arabidopsis thaliana genomic region affecting the accumulation of  
flavonol 3-O-gentiobioside 7-O-rhamnoside, ecotype Landsberg erecta

GATTTGTAGGTGGAAGAAGGACTCTGATTGGGAAGTTAGTTCATTAGCTGAAAACCTTCGATTGGAAAAGGAT  
TGCAGAACCTGTGATGAAACTATACACTGAGGCAACAGATGGCTCATACATAGAGACCAAAGTCTC

>trans\_c\_8606 DQ359730|Nicotiana attenuata JAR1-like protein (JAR6) mRNA, complete cds

AATTGCCGATGGGGATTCTTCGCCTATTCTCACTGGAAAACCAATCAAAACCATTTTCGTTGAGTTCTGGTACTA  
CAAAGGGGAGGCCCAAGTTAATTCCTTCAACGATTCCGGGTTGGGAGTAACAATGCAATATAG

>trans\_c\_8607 XM\_002879225|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata BTB/POZ domain-containing protein, mRNA

CGGTGGCTCCTTTTGAGTGTGCTTGGCTCAAGGATTTAAGATTTGCGGAAGCAGGACGGGGGTGTGTGGCTT  
TTGAAGCTTCCGCTCACAACGATGTCACACTCGTGTCCGAGAGAATAACAAAAGACTGGTGCCGTT

>trans\_c\_8608 EF151133|Physcomitrella patens subsp. patens trehalose-phosphate synthase 5 mRNA, complete cds

AATGCAGACCTTATTGGTTTTACACTTTTGACTATGCTCGACATTTCTGTCTTGTTGTAGTCGGATGTTGGGT  
TTGGAATATCAGTCAAAGAGGGGTATATTGGCTTGAATATTTTGAAGGACCGTTTTTTAT

>trans\_c\_8609 XM\_002865989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATCNGC4, mRNA

CACTGCGCTTGACCTTGTCAATTGACAAAGGTGTAGCGAAAGTGCTGGGTACATACTTGACATCCTCGGCCTCC  
AAGCTGAAGGCTTCAGTGGTCTCGAGTGTCACGAGAGTAAAGGAGGACGTCAAGTCTACCGGTC

>trans\_c\_8610 AY972079|Glycine max chloride channel mRNA, complete cds

CAGTGGCAGCTGGGCTAGATCTTGGAAAAGAAGGGCCTCTAGTACACATTGGTAGCTGCATTGCTTCTTACT  
TGGACAGGGTGGACCAGATAACTATCGACTCAAATGGACATGGCTACGCTATTTACACCGTCGA

>trans\_c\_8611 NM\_121739|Arabidopsis thaliana GAD; calmodulin binding / glutamate decarboxylase (GAD) mRNA, complete cds

TTGTGAGCAGCATCAACATGAATAGGAGTATCCCATCCAGTTTCTTTGTTCTTCTCGACTAAGAGATCGTTTAA  
GAGTTTTACATCTTCGAATTCTCCATTGAGAGTGGAACCCAAGATGGCTGCAACACAGATTGTG

>trans\_c\_8612 X58245|Soybean mRNA for HMG-1 like protein

AAAACATGAAGGCCTATAACAAGAAACAGGCCAGTGGAGCCAACGCTGCGAGCAGGAGCGAATCTGAGAAA  
TCAATGTCTGAGGTCAATGATGATGAGGATGGAGATGAGGGCAGCGAGAGAAGAAGTCTACTGAGAA

>trans\_c\_8613 EF207452|Penthorum chinense inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

ATTGTCTCAGGGGGACGAGAGATGCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGAGACTCACCCGAGATGTAGC  
AAGAGCGTGGAGGTTGAGTCCTCTCTGGAATGTTGTATTCCAATTACGTCTGTGCGAGAATGTGTC

>trans\_c\_8614 XM\_002878131|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C2 domain-containing protein, mRNA

TCAAGTCAAAAAGAACTCTCCCATGAAATCGTCCTTCACAAAATCCTTATCCTTCACAGTCACCTCAAGCACTG  
AAGCCTGAATCCGATCCTTTGAAAAGGCAAACACCTGATTCCATTGAGGATTGCACTTCTTCT

>trans\_c\_8615 NM\_001068049|Oryza sativa Japonica Group Os08g0313200 (Os08g0313200) mRNA, complete cds

TGGAAAGGTGGTCGGCGACTTAATGACAACAGCACCTCTTGTTGTTGAGAAATTACCGATCTCGAGGATGTT  
GCTAGATTATTGCTTCAGACGAAGTATCGCCGCCTCTTCACATGATCTATCTCGTAGATCGAGCA

>trans\_c\_8616 XM\_002874319|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2473, mRNA

GGAGCGAAATGCAATGGGAGGATTGTCAATTGATGACTTTTTATCACTGTGGTCCCTCATGACACTCCTAAAC  
CCAGTTTACACCATTGAAAATCTGATATACATTGGTTACTCTGGTGATCCTGCATCTGCTGTTCT

>trans\_c\_8617 AY968438|Lagenaria breviflora ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds;  
plastid

TACCAAGGAAGGGTCCATAACTTCTATTCAAGCTGTTTATGCGTTCATAAGTAGCCCAGTTAGCTTCATCTTCAT  
TGTTGTGCCCATGTGCCCAAGCATCGTCGTTACGTCGCTGGAGAAGCCGTAGTACGGTCAATA

>trans\_c\_8618 NM\_119973|Arabidopsis thaliana binding (AT4G38120) mRNA, complete cds

CACCATTTTTTTGACCAGAAAATCTTTCAGCGGTTGATGGTCAGTGCTGGCCGCAAGACTTAAACATGTAACA  
TGTTGAAATCAGCTGCTTCTCAAGTGCAACCTTGCCTTGAAGTCTGGAGCAAGATTATGATT

>trans\_c\_8619 NM\_001051706|Oryza sativa Japonica Group Os01g0913400 (Os01g0913400)  
mRNA, complete cds

AAACACCCGATAAACGCTTTAGTTCTAGCGCACAGGGCTACTCCATATTGCGCACGTCAGAGCCACCTAAAGA  
GTGCAACTTGGATTTATCAGTATTCCAATTACGTGACAGCCAGAATGTGTCAGTGTGAGGTGTCC

>trans\_c\_8620 AB434498|Physcomitrella patens subsp. patens mRNA for KINID1b, complete cds

TGAAAGTATTCGAAGCAAACGCACTCTGTCCAGAACTGATATTAATCAACTCAATGTTTTGTGGCAATTTCTT  
CGTTTGCAGAAATGAAATCGATTCTTCCGACTAACTCGCCGAAGCAGTTCCCTCCAAAATTCAA

>trans\_c\_8621 NM\_001067082|Oryza sativa Japonica Group Os07g0662900 (Os07g0662900)  
mRNA, complete cds

AAGAAGGGGTTGTTACTGAGTCCTGTTACCAAGGAGATCAGCTTATATGGTGTGGAAGTATTGCGGTGTCTA  
ATGGATTTGAATGTGAGTACAATTATTATGTTGTTGATGACAATAGAAACGAGAACTCTACCTT

>trans\_c\_8622 Novel Gene

ACTCGCTGGCACTATTCTGAAGACAGAATACACATATGCTCAAGAACTTTCATTTCCAGCAATAACCAATTTCTT  
GTTTTCTCAAGAGGATTGGTATTGCTCCTTTTAAAGCAAGAGGAACCAACCAATCCATCC

>trans\_c\_8623 GQ998829|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C photosystem II protein D1 (psbA) gene, complete cds; chloroplast

ACTTCCAACGGTCCTCGACCCAGCTGAAAGGGTTGTGAGAAAATGAATCTGCTAATGAAGGTTACAGATTCGG  
TCAAGAGGAAGAACTTATAATATCGTAGCTGCTCATGGTATTTTGGCCGATTGATCTTCCAA

>trans\_c\_8624 XM\_002886033|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GCIP-interacting family protein,  
mRNA

AGGGCCGGAGGAGAAAGGCTTTAAATACTCCAACTACTAGAATTCGATCTTCCTCGAAAATCCTTAATCAG  
GTAATGCAGTTCTCGCTCAAGATTGTTTTGATCTCCAGAGTGTATCTACCAAAGGCCCGCTC

>trans\_c\_8625 HM122675|Malus x domestica SCL domain class transcription factor (SCL11) mRNA,  
complete cds

TGGATTGATTTTCTGATCAACTTTAGAACCCTATCTCTCGGGCTGTTAGCGACTACTGTTTCGTCGGGTACGTT  
TTTCATTCGGAACATACAAGTCACAATAGTCAGTTCATCTCTATCAAGATTGAGATCCTCGT

>trans\_c\_8626 X75898|*S.oleracea* pgm mRNA

AAAAACTCATCGATGTTCCCCAACCATCCCTAACCCAGAAGACAAAACCGCCATGTCACTCACTCGAGCCAG  
CCTCCTCGACCACAACGCCGACCTCGGTGTCGTCTTGACACACACACCACACGTTGCACACA

>trans\_c\_8627 XM\_001690821|*Chlamydomonas reinhardtii* magnesium chelatase subunit I (CHL12)  
mRNA, complete cds

TGGTTAGAGATAGCGCGCGGCATAGACCAAACACTCATTTTGGTATCCTGGTTACGACAATTGGGCACTCACA  
TCTCTTCCAATCTGATCCCTACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGTGACTCAAAC

>trans\_c\_8628 M62987|*Craterostigma plantagineum* dessication-related protein mRNA, complete  
cds

ATGACGAGAGTGGAGAGGACGAAGATGATGAGTAAATGTTTAGGAGACGAGGAATGATGTGGTGGAAGAA  
GAACAAGCGTTTAACTCCTTCATAGTTCGGAGCAAAGACTCAGCAGCCCGAGCCCCCTCCCGCCGC

>trans\_c\_8629 NM\_001052869|*Oryza sativa* Japonica Group Os02g0224300 (Os02g0224300)  
mRNA, complete cds

ATGCAGGTGGCTGAGAACTTGAGTATCCAGACGGCAATCCAGCAGGTTGCCCATAGCCACTAGGTGTGCTCG  
GTGACTGAGTGCTTTGACCATAGGCTGGAGATTTGTAGGTTGTTTCTGAGTCTGAGGTGCTCCA

>trans\_c\_8630 FM992350|*Cylindrocystis brebissonii* chloroplast partial rbcL gene for ribulose-1,5-  
bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit, strain M2853

AATGGCGGTCCCCAAAGGCCCTAAATGACAGTTTTTGAATATGAGGAGTACATGTCATTTCTACAATCTTAG  
CAAAGGTAAAGTAAAAGTTTACATGCAACATAAATATGTAACACAACTGTAGCGCACCCCGCC

>trans\_c\_8631 NR\_022607|*Arabidopsis thaliana* (AT2G35742) ncRNA

GAGAATCATCACGTAGCCAAGGCGGAGGCGTGAAGCAAAGGGTTTAGAGAACTTATCAGCACATATCATCA  
GAGTGGTGCATGACAATCTCATAAGCTCATCACTGCCATTTCTCTCTCTTTGGGTGTGTATTA

>trans\_c\_8632 L01660|*Medicago sativa* NADH-glutamate synthase mRNA, complete cds

TGAAACAAACAACTTCCAGAGTTTACTGGCCGTGTCTGCCAGCACCATGCGAAGGATCTTGCGTTCTTGGC  
ATTATTGAGAATCCTGTGTCCATCAAAAACATTGAATGTGCCATCATAGACAAGATTGGTGTTG

>trans\_c\_8633 AY639600|*Lycopersicon pimpinellifolium* orion Hcr9 gene cluster, complete  
sequence

AATGTAGAGACCAAATGGAACAGATGTGAGCTAGAAATTGTACACACATCTGTAACGATGGACTACGTTCGAT  
TTTCAGACTTGTAAGTGTATCAAACATTATAATTAAGAAATGATACATGACTAAGTCTGGGAG

>trans\_c\_8634 EU002214|*Coriaria nepalensis* NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 5  
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

CTGTGGAACAGGCGATTATTGCGAAAATCGGTGAATACAACCAACTATCATTAAGAATTCATCTTTGGACCA  
AAAGCAGGCAAGGGGTGGAATACCACAAAGAGAAAGGGTACCTAATAAAACAAATGGGGGTGGC

>trans\_c\_8635 D50085|Cucumis sativus mRNA for NADPH-protochlorophyllide oxidoreductase,  
complete cds

TGCTTGCCCACTACTACGTGCACACCAACACATCAAGCGGCCTGCCAGACTGCCTGAAGTTGTCAACAACTG  
GCGAACGCTGTCGAGCGAGGCAAGGTCCAAATGCATAACAGTGTAGTTTTCCTTGGCAATGCCC

>trans\_c\_8636 NM\_001056658|Oryza sativa Japonica Group Os03g0352400 (Os03g0352400)  
mRNA, complete cds

AAAGGAAAGGTGTTGAAGAATGACCTTCAGTCGAATGAGTTACCTGACACACGAATTCAACCCGATCGCCGCT  
GGTTCGGGAATACCCGAGTTGTAAACCAGACCTCTAGAGAAATTTCCGTGAAGAGAGGTCCCC

>trans\_c\_8637 L01660|Medicago sativa NADH-glutamate synthase mRNA, complete cds

GCCACGATCCACTGAGATTAGCCCTTCGTCGCTCCGATTGATATGGACCCGAACCTGTGAAGACTGACAAA  
GTGGATGTAGTTCAGCGCGGGTTAACCTCATGGCAGAGGAAGGTGTTAACTTCGCCATATTGA

>trans\_c\_8638 AY500156|Lycopersicon esculentum MAP3Ka mRNA, complete cds

AGTTGGTGGACTTTGGCATGGCAAAACATATAACGAATTGTAATTCGATGCTTTCCTTCAAAGGCAGTCCTTAT  
TGGATGGCCCCGGAGGTACTTTCTATCACTTCCTTCCACTCCCTCTGCTTTAAATAACAGACA

>trans\_c\_8639 FM992584|Zygnemopsis sp. CCAP 699/1 chloroplast partial 23S rRNA gene, strain  
CCAP 699/1

TCAACCTGGACGGCAATCAGGTGTTGAGTGCAAGTGACAAGGGAGCTTGAAGTGGAGACCTACAAGTCAAG  
CAGGGACGAAAGTCGGGACTAGTGATCCGGCACCTCTGAGTGGAAGGGGTGTCGCTCCCATCCAG

>trans\_c\_8640 NM\_100673|Arabidopsis thaliana SIT4 phosphatase-associated family protein  
(AT1G07990) mRNA, complete cds

CAGGTGGAACAACCTCTGCGTTACGTTGTTGAAGAACCTCCAGAGGATTCTGAAAGCAAACGGGCATTCAAGT  
TCCCGTTTATTGCCTGTGAGATCTTTACTTGTGAAATTGATGTTATCTTGAGAGTCTCGACGAG

>trans\_c\_8641 AY168824|Pyrus pyrifolia cultivar Soowhang 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

TGAACATAGATTGTGATATAAACAATGGTGGGAGAAACGTACTTCAAATCGGATGAGTGGCTTGGCTTTCAT  
CATCATGCAGTGAAGCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAGAATA

>trans\_c\_8642 X61113|N.sylvestris mRNA for chloroplast 29kD A ribonucleoprotein

AAGCCTTTGGCAGTGCCCATGGATGCCACAACGAGCGAAACGGCGGCGCTACAGTTCCATAGCATTCTGATC  
AATCAGTTTCTACTATTGTCACCAAGTGAACATCGTGTAAGGGTGTGGCTTTGCTGTAACAAC

>trans\_c\_8643 XM\_002876240|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata esterase/lipase/thioesterase family  
protein, mRNA



AGAGATATCCAGAGATGTGGCATGGATTGTTGTATGGAGAGACAGATGAAAACATTGACGTTGTATTTGGAG  
ACATAATTGCTTGGTTGGATGAAAGATGTGCTTTGGGAAATTC AAGGATCGAAAAACAGCTCAAG

>trans\_c\_8644 XM\_002881127|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

CCTGCAAAGAAAGAAAGACTAGGCAAGGAAGAGATCAGGTCCATCTTGAGTGTCTTCAGAGGAGCATGTGA  
GCTGGAAATCAAACCAATGTTGTGACCTTTTCGGCGATTCTAAATGCACATGACCGCTGCAAAC

>trans\_c\_8645 XM\_002948330|Volvox carteri f. nagariensis metalloproteinase, extracellular matrix  
glycoprotein VMP11 (vmp11), mRNA

GGGGACGGACTGAATAACAATACGAATTATAGAATTCAAAGTATAACGCTCACTCCGGCCTCCCTTCCCGCCT  
GGACGACCCCCCTACTATTGGGCCATTTAGAATTCGTATCCCCCAAATCCATATCCGAGTGCC

>trans\_c\_8646 DQ157703|Cucumis sativus alkaline alpha galactosidase I (AGA1) mRNA, complete  
cds

AGCAGTGAAAGAAATGAACCATCAACCTGGAAGTTCGAATGTGTCGCTGAAAGTTCGGGGTTCTGGGCCATT  
CGGGGCATATTCCTCGAGCAAACCGAAGCGTGTAGCAGTCGACTCGGAGGAGGTAGAGTTCATGT

>trans\_c\_8647 U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

CCTCTTGGAGAACTGGTTGGGTGATGACAAGTTGGAATGCAGCGAGGAACTAGGAGATCTTGTGAAGACTGT  
GGACAACGACCTGGCGTTGAAAATCTATATAAAAGCCAGAGCAACACCGAAGGTAGTTGCTGCAG

>trans\_c\_8648 AY054596|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g33850; T1B8.15) mRNA,  
complete cds

TACCCTATTGTTGGCCGTGCCACCTCTTAAACATGCAAGTTTACGAGTTTCGCTGTGTGGTGTGTTGTTGAGTCA  
TCGTAGTTTTTCAGAAGTATTAAATGAATAATCGTTCAACTCTGAATATGGGATTGTAAAATG

>trans\_c\_8649 U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

GGGAAGGATTGGTGAGCGATGCTATTGAGTCCTTTATTCGTGCAGATGATGCCACTCAATTTCTGGAAGTCAT  
TCGTGCTGCTGAGGATGCAAATGTGTATCATGACTTAGTTAGGTACCTTTTGATGGTTAGGGAG

>trans\_c\_8650 XM\_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

TTCAGGAATACGCATCCAGTGAGACAGTTAGGGCCATCACTGCTGCTATTGAAAAGGACTTGTGGGCCACTG  
GAACTGTTAATGAGGAATACCTGAAAGCCCTATTAAGAGAAAGACTACCAGGAAACATCGGTCTC

>trans\_c\_8651 NM\_127816|Arabidopsis thaliana UCP5 (UNCOUPLING PROTEIN 5); binding (UCP5)  
mRNA, complete cds

AGAAACAGCGTTTCGCCCCGTCTTTTATCGTCTTCAACCTCAACCTCCATCGAAAACCTTTCTCCGAGTCAG  
AGATCGGGTGTTTAACTGTTTGTATTTTCTCCCCTGTTCTTGGGGCTGTTTGTGTTTTTTCG

>trans\_c\_8652 GU142863|Gossypium hirsutum potassium transporter (KT) mRNA, complete cds

TTACAAACGACTAGAGCCAGACTTCTCACAGCTATCCATTAAGATTGCTTTCTCTTTCGTGGTTTATCCATCTTT  
GGTCCTGGCATAACATGGGACAAGCTGCTTATCTCTCTCAACATCACGGCGAGAGGGAGCCAG

>trans\_c\_8653 EU165711|Eucalyptus grandis cellulose synthase (CesA1) gene, complete cds

TTGCACTATCGGATTACAAATCCAGTTCCAAATGCCTTTGCTCTGTGGTTAATATCAGTGATTTGTGAGATTG  
GTTTGCTATATCTTGGATTTTGGATCAGTTCCCCCTCACAGAACTTGGGGCTACTCTCATAT

>trans\_c\_8654 NM\_178954|Arabidopsis thaliana GATL6; polygalacturonate 4-alpha-  
galacturonosyltransferase/ transferase, transferring glycosyl groups / transferase, transferr> (GATL6)  
mRNA, complete cds

ATGCCAATTTTCAGCAAGTATTTTCACAGCACGTTTCTGGTCTGATGAGAGATTTTTCGGCACATTTGCTGGAAGA  
AAGCCCTGTTACTTCAACACCGGCGTTATGGTCATAGACTTGGTTAAATGTCTTAATGGTGGG

>trans\_c\_8655 AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

GAAAGAACAGAGCAAAGTAGAAGAATCATTAAAGATCTGAAATTGAAAATCTCAAGGCAGATATTGCGGAGAA  
TAATGGTTTAAAAATACGCCACAAGGAGCTTGAAGACGAGCTAAGTAAGCTCAGGATCTCGTAAG

>trans\_c\_8656 NM\_001069824|Oryza sativa Japonica Group Os09g0442300 (Os09g0442300)  
mRNA, complete cds

ACTTTCTCTGTTTCCCTGTACACTCCACATGCGAATTATCCTGAGCGCTCCAGTTGTACTGAATGTCCAGCAAGA  
ACCACAGTGGCCTTGATCTTTAACAGGACTAACTATGCCATCTTTCCTCCAGTCTTTCGATT

>trans\_c\_8657 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

GAAATGCTATAATATACTCTTTCCATAACTTCTCATACCAGACCAACCCACTAAAATGCAAATAGGGATCAGA  
AATGTGGTCAATATCACGAAGAATAAAGAGATACCGTCTATACCCAAAGACAAATTGATGTTT

>trans\_c\_8658 EF206343|Corylus avellana 3-hydroxy-3-methylglutaryl coenzyme A reductase  
mRNA, complete cds

CTAATTGTCCAGCCGCAAGAGCAGCCATTAGAGAGAGCTCTCCAGCAAGAACAGAACCAACAGCAACAATGGTGG  
CCAATAGCCTTGAGTTTGAGCCTGGGGATTCTCTATTAGCACCTTTAACTCCAAGAAGATTCAGA

>trans\_c\_8659 AF036618|Arabidopsis thaliana acetyl-CoA synthetase mRNA, complete cds

CACACTGTTGGAAAACGACGTGAAGCCATGCACCTGGCAATGGAGTGATCATGAAGCCACCAGTTTCAGTTTG  
CCACCAAGTGTCTGATATAGGACACCTCGACTCTCCAACCACATTGAAGAACCACCTCCATGCA

>trans\_c\_8660 NM\_001070633|Oryza sativa Japonica Group Os10g0130700 (Os10g0130700)  
mRNA, complete cds

AGAAACCCCATTAACATCTGGTGGATCAAGTTCTAATGCACGAATTTCTCCTCGATATCCATGGAAGTGTCGC  
CGTAAGCTGCAGAGAAGTAAGTCTAGGGTTTCTCGTAGCGTAGTGAGCAGGAAGAAAGCTTCA

>trans\_c\_8661 EF375892|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA3) mRNA, complete  
cds

AGGCAAGAGCTGGAATTAGAGAAATTCACCTTCTCCCATTTAATCCTGTGGATAAGAGAACTGCTTTGACTTAC  
ATTGATTCTAATGGAACTGGCATCGTGTAGCAAAGGTGCTCCTGAACAGATCTTCACTCTG

>trans\_c\_8662 NM\_001187509|Oryza sativa Japonica Group Os05g0429600 (Os05g0429600)  
mRNA, complete cds

GACGAGTTTTAGCGGCAGGCCTCTCAAGGAAGCTTGGGATCATAGGATTTGGTCATGGAGGAGGCCGAGTA  
ATAGATGTTCTAGCTCGAGACAAGGGTGCCTGTTGATTGGCCAAGATTCTTCTCGCAACACTGA

>trans\_c\_8663 AF154351|Trigonella gladiata internal transcribed spacer 1, complete sequence

CTTTTCAAAGAATCGCTTGACTTTGTAGAATCATCGATTTCTTCCCTTTAGTTGGCTCTGGGGGTAGTAGCG  
GCGAGCGAGAGCGGATTGGGGGTTTTCAGAAAAAGGTCCGATCTTGTCTTTGTTCTTAGTAG

>trans\_c\_8664 EF517398|Triticum aestivum starch branching enzyme II mRNA, partial cds

TATGGGAGCTTGTAACCCAAACAAAAATGTGTGAGTGGGTGAAGGTTGGTTCGTTCCGCCGTGTAGGGCTTT  
ACTGAGATGATTGCTGGCCTGCCATTCCAAGTTGTGAGCTGGGCAGGGCATCTCATCCACGAA

>trans\_c\_8665 M55084|Vicia faba chloroplast transfer RNA-Leu(CAA)

AAAGGATTTGGCTCAGGATTGCCACCCCCGGCCTTGAAACCCTCTCAGGCCAGGGACCGCTGTCCGACGAA  
CCCTTGC GTTGAATCTGGCTCGGCTAAGTCCGTAGCGTCTACCGATTTCGCCATATCCCCCTC

>trans\_c\_8666 HM179992|Pteris vittata protoporphyrin IX magnesium chelatase mRNA, complete  
cds

GGTGGGAGCTTTGATCCATTGGGGCTGGCCGATGATCCAGAGGCATTTGCGGAATTGAAAGTGAAGGAGCTT  
AAGAATGGTAGATTGGCTATGTTTTCGATGTTCCGATTTTTCGCGCCTTGGCCGTACAGCAGCCT

>trans\_c\_8667 AY189108|Schefflera arboricola 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GAAGGTCTAAAGGATCGATAGGCCACGCTTTCACGGTTCGTATTCGTAAGTAAAATCAAATCAAGGGGACTT  
TTACCCTTTTGTCTACTGGAGATTCTGTTCTCCATGAGTCCCCCTTAGGACACCTGCGTTGT

>trans\_c\_8668 NM\_001062299|Oryza sativa Japonica Group Os05g0461900 (Os05g0461900)  
mRNA, complete cds

TCAGCTGCCCCTGAGTATCTACAGAAGCTAACCTACTTATGTTGGAACCATCACAAAGCCATCAGACATATTGA  
CACGGTCCGAGCGTATACATTTGGATCACACTACTTTGTCGAGGTCTCATAGCAGGACAGAGT

>trans\_c\_8669 XM\_002299868|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 14 (CPK14),  
mRNA

AGTGCTGGAGTTATACTCTACATTTTACTTTGCGGTGTCCACCTTTTTGGGCAGAAACCGAACAGGGGGTGG  
CACAGGCTATCATTCGGTCAAGTAATTGATTCAAGAGGGACCCCTTGGCCTAATCACTCCGACAA

>trans\_c\_8670 CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

CCCCAATGAGCGGGCAATTGAGCTTCGAGTCTACGTGGCTTCTAAAGCAGCCTTTACTAGCCTGCACCACAG  
CTACAAACAGCGTGTGCATGGCGCAGATTTTCATCATCGCAAGACAGAGGTCCATGGATTACATCG

>trans\_c\_8671 DQ008639|Anemopsis californica 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGTTGAATTTCTTCACTTTGACATTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGGTTTTGTCTCTTAGGA  
TCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGGAACCTTTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTT

>trans\_c\_8672 HM596916|Cucumis melo subsp. agrestis internal transcribed spacer 1, partial  
sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial  
sequence

CAGTGTGTGTCCCTGCCTTCACAACGACCCCGCATGGGGAGAGTTGTGTGTGTTTTATAGCGATGCGTGACGC  
CCAGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGGCGCAACTTTCGTTCAAAGACTCGGTGGTT

>trans\_c\_8673 EF207452|Penthorum chinense inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CGAAGCCACTCAATTGCTCTCCAGATGCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGAGACTCACCTCTCACACT  
ACAGAGCGTGGAGGTTTCGAGTCCTCTCTGGAATGTTGTATTCCAATTACGTGATGATTCTCCGT

>trans\_c\_8674 AM939982|Triticum turgidum subsp. durum UTR region for TdLFC59 gene

ATAGATTAGGGTAAGCGAGGGGATCGTTTCGTCTCTCAGTGTCAGTGTCGGCCCAGCAGAGTGCTTTCGCAA  
GAGACGCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTTCTCTCTCCCCTCTTTT

>trans\_c\_8675 M82923|Spinacia oleracea chloroplast ribosomal protein S1 (rpS1) mRNA, complete  
cds

CGAAGGCATATCTTCACTCTCGAGGACTTCATGCCGCTCTGAAAAATACGACTTCGATTCTGAATTGGGAA  
CTAAGGTGAAAGGAAGTGTGTTTTGTACGGGCAAAAATGGAGCACAAACACAGTGTGCACACCA

>trans\_c\_8676 Novel Gene

AGCGTGGTCGCGGCCGAGGTGGGCCATCAGGTGGATATGATGGTGGCTACAATGCGGGTGGTAGAGGTGGC  
TATAATGCTGGTGGTAGAGGAGGAAGCTATAATGCCAGTGGTGGTAGAGGTGGTGGTTATGGAAGT

>trans\_c\_8677 AY681124|Citrus limon auxin-induced protein 22D mRNA, partial cds

TCTTCTTCTTCTTCTTCTTCAACCAAAACCCAGAGCAGAATGGAATCCAATGTTACGTTTCACAACGATCTCAAT  
CTTGAAGCCACCGAGCTTCGTCTTGACTTCCCGGAGTCGTTTCTGAAAGAGATGATCTGCT

>trans\_c\_8678 FN179373|Hordeum vulgare subsp. vulgare plastid mRNA for large subunit of ADP-  
glucose pyrophosphorylase (AGP-L2 gene)

ACTCTTCTTGTGTCCCAATAGATGACAGTCGAGCATCGGATTTTGGGCTAATGAAGATCGACAATAGCGGAA  
GGGTTATTTTCATTAGTGAAAAGCCTAGAGGGAAAGACCTTAAGGCGATCCTTACCTGTGTTG

>trans\_c\_8679 AF130252|Arabidopsis thaliana calcium dependent protein kinase CP4 mRNA,  
partial cds

TAGATGATAATCCGACCCTTTACTTAAATCATCTGTCTCAGTTTTTCTCACTTTTTCGGAAGGAAGGAGGTCTG  
GAGCATCCATTAATGGCGAACAGGATAAGGTTTGGATCAGTGTTTTACTGATTTTGTTACTC

>trans\_c\_8680 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

TGACTTGGAAAATATGTTGGGCAAACGAATAGCAAGTTCCAGTTAGATGCTTCTGAGCTAGCGAATTTTCTC  
ACAATTGATAGGCATATAGGATTCAATGGATGTGCACAAATCTTTTAAGATCAGTGCTGGCAG

>trans\_c\_8681 GQ998808|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete  
cds; chloroplast

TTATTGTTTCTTATCTCCATTACTATATGCATTTCTTTCCTATCTCCCTATTCATAGAGATAGAATTCATGTCCGA  
ATTCATGAACATAATGGAATAGCCAATTTTTTTTTCTATTGGTCCCCACCGTTTGGCGGTT

>trans\_c\_8682 NM\_126434|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol 3- and 4-kinase family  
protein (AT2G03890) mRNA, complete cds

CATTGATCGTTTTTCTGGCACAAAACGGTTGGTCAAAGAGATTGTGAAAGCTATCAAGTTGGGTATTGATC  
CGATTCCTGTTACAGTGGGCTTGGAGGTGCATACTATGGGCTTCGTTTCCCCCACTGGACA

>trans\_c\_8683 AF164510|Glycine max carboxyl transferase alpha subunit (accA-1) gene, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

CCTTTGAACGACCCTCTTCGAGTCCCTTGTGATATAGAATTGTGGGTATGAAATCCAATTTTGAGTAATCAAGG  
ACTCAACTCTTAAATTTTTCTATTTATAGAAATAACTTCACTGCATTTCTGTGTGAAA

>trans\_c\_8684 X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

ACCCAAGAATTCGCTATTTGATTTTGCTAGTCCTTGGGAACAGCGTAGCGACGGATAATTCAGAATCAGAA  
TAGGTCCAGTCCAGGGGACAAATCAATAGGAAATGCTACGCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTT

>trans\_c\_8685 DQ812086|Cucumis sativus NO3-stress-induced mitogen activated protein kinase  
mRNA, complete cds

GTATCTATTCTGGTTTCAGCGTATAAATAAGATCACAGTTTGCATTAAGCAATAGATTGCTCGGTTTCAAGTCT  
CGATGAATGACATTGCCGAATGTATGATTTTCAAGTCTCTGAGAATCTGATAAAGGAAATA

>trans\_c\_8686 EF590391|Corylus avellana cultivar Tonda Gentile delle Langhe tRNA-Val (trnV)  
gene, partial sequence; chloroplast

TCAACTTAAGTTAAATGGAATCTCTATCGTCCTGCTTCTGCTTAAAGAATAAAATATGAAACTTCATACACCTTA  
AAGTTGTTTATAAGATAGGATCCTTTAAGTTTCAGCCTTGCGACCATACTCCCCCGGAAC

>trans\_c\_8687 AY727933|Pelliciera rhizophorae 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACAGAAATTACGACCAACACCCTTTGTGGGTTCTAGGTTAGCGCGCAGTTCGGTGTATGCCAAATTTTCCGGTT  
TATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAATGGCCCACTTGGAGCTCTCGATTCCGTGGT

>trans\_c\_8688 NM\_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);  
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

AAGGCCTTCCTGTTGAACGAGTTTTGAAGCTACACGAGGGGCGGCCTCATGCTGGTGACATACTTGCTAATGG  
GCAAATTCAGTTGATGATAATCACTAGTTCTGGCGATCTAGACAGCTCTCGGCTACCGTATTT

>trans\_c\_8689 AY941470|Lycopersicon peruvianum receptor-like protein kinase (CT268) gene,  
CT268-7236b allele, partial cds

ACTTGCAGATTTAATTTCCCTTGCTGAGATTCGACTTCAGGACAACCATTGAGTGGTACGATTCCATCAAATT  
GGACTGGTTTAAAGTCTCTTACATTGTTGGATTAAAGTGGGAATAACATCTCCCTCCTGTA

>trans\_c\_8690 XM\_002879678|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acetyl co-enzyme A carboxylase  
carboxyltransferase alpha subunit (CAC3), mRNA

TCCATGGAGATCGTGCTGGGTACGATGATCCAGCAATTGTTACTGGCATTGGGAGCATTGAAGGTAAAAGCT  
ACATGTGTATAGGACATCAGAAAGGTAGAAACACCAAGGAGAATATTGCTCGCAACTTCGCAAT

>trans\_c\_8691 DQ629429|Thelypteris navarrensensis 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGCACGCATCCCCCGCGCTTCCCCGTCAGCGCCCGTCGGCATGTATTAGCTCTAGAATTACCACAGGTATCCA  
TGTAAGTAAAGTACTATCAAATAAACGATAACTGATTTAATGAGCCATCTATGACCCACAGT

>trans\_c\_8692 AP009370|Barbarea verna chloroplast DNA, complete sequence

CCCAACCCAATTCAAGGGCGTCTAAGAAATAGGATCCGGGGTGTGGTACGGAAACGAAAAGACTGGAAAGA  
ATGCACAAGAGATGAAAATCCCCCTACCGATCAATGATAGATGAATGATAGAAAAATTTCCGGAT

>trans\_c\_8693 HQ163788|Ipomoea nil RSH1 mRNA, complete cds

AACCATTATACAAGGAAGTTTTGCCTGGTTTGGATAGTTGGCAAATCAGCAAGGTTACCTCTTGGCACAGTCTT  
GAAGGGCACTCCATTCAATGGCTTTGTGTTGTTTGCATAGATCGTAGAGGCATAATGGGCGA

>trans\_c\_8694 XM\_002887639|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C2 domain-containing protein,  
mRNA

TGGAAATCTTGACTGACCAGGTAGATGACAGCAAGTGGGCTATCACTGCTGCGGGTGGAAATTCCTCCATTGGT  
TCAGTTATTAGAGACTGGTTCACAAAGGCAAGGGAGGATGCAGCACATAGGGGTGTTCAAA

>trans\_c\_8695 Z11883|S.tuberosum U1snRNA variant genes U1-1, U1-2, U1-3, U1-4, U1-5 and U1-6

GACACACTACAAATGAGTGAATCGCGGGCACCCCTCCTAAAGTGCAATGGAGATCACCACCTAGGCCATGA  
GCCTTCCTGATCGCCCATTGACCCCGTCCAGGTAAGTCCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACC

>trans\_c\_8696 AM158274|Glycine max mRNA for asparagine synthetase, type III (sas3 gene)

GGTAGCTATTGTAGACCCCACTCCGGGGATCAACCCCTTTATAACGAAGACAAGACCGTTGTTGTTACGGTT  
AATGGAGAGATTTACAACCACAAGGAATTGCGAGAGAAGCTTAAGGGTCATCAAAGGCTTA

>trans\_c\_8697 AB490410|Citrullus lanatus subsp. vulgaris gene for 18S ribosomal RNA, partial  
sequence

CCTATGGTGAGCACCGGTCGGCTCGTCCCTTCTGCCGGCGTTCCCAGGCGCGGACTGAACGCTTCTAGGCGGT  
ACCGTTGGTCGCACTGGCATCTGAGTTGCCCGGTCAGCGTGGACGATGGTGTCTATACAACCT

>trans\_c\_8698 AF123822|Gnetum gnemon photosystem II D2 protein (psbD) and photosystem II CP43 protein (psbC) genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

CCATTTTCATATGATGGGAGTTGCGGGACATAACCCGCGACGAGACGATACGCGATAAGTACCACGCGTTACG  
AGGGGCGTTCGCCCCAGAAGCAAAAGCACACGTTTATGTAAGGCACGAAAATTGGGGGTCTGGG

>trans\_c\_8699 FJ910167|Zea mays subsp. mays Mu transposon insertion Mu1007937 flanking sequence

AGACACCCATGGGGAATCCTAATCCGTCACAGTTGCGGAATGAACTACCACGGACCGGTCTCCTCAAATCCC  
TCATTAGGGAGTCTGCCGCTTCTTTCATAACGGAGCCGAGAATAAGGGCTCCGTATCAACTC

>trans\_c\_8700 AB331259|Typha angustata chloroplast rpl2, trnH, rps19, psbA genes, partial and complete cds and complete sequence

CGGGCACTTCGTAAGTGAAGACGTCTCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTAGTGGGCGTGGAG  
CCCTTTTGAACCCGCGCATGGTGGATTACAATCCACTGCCTTGATCCACTTGGCTACATCCGCC

>trans\_c\_8701 X55076|B.vulgaris mitDNA for ATPase subunit 6

TCTACCTGTTGTCCACTTATAAGGACATGATGGGGAACACACACCCCTCCCCTGGGTCTTGAATGATGCTACAA  
ATCTCCATTAAATGGTTATTTATTATAATTGAACAAAAGCGAGGCTCCTCGTGTGGCACA

>trans\_c\_8702 L42991|Chlamydomonas radiata chloroplast large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene

GGTTGTACGGGCGCTGTTCTGCTTGTCTAAACAAACCGATGATGATGGGAATGAGATTACTTGGAGCAGAGG  
TAGCATTATTTTTGAAGCTGTAGTAAGAACCTTTTTTTGGGGGGGCGCCCCGAAAAAGAAATGA

>trans\_c\_8703 Novel Gene

GGCTCTGACGTGGGACGAGAGGGAGGTACCCATGATCAGTGGTCTGGTCTGGAGATCACTCAAATTAGATTC  
AATTAAGGCCAGTTCTTGAGTTAGCTTCAACTTCGTCTCGTTTAGCCCTGCACTCTCCTGTTCA

>trans\_c\_8704 NM\_001061512|Oryza sativa Japonica Group Os05g0230900 (Os05g0230900) mRNA, partial cds

TTTCTGAGTAAGAAGCTCCTTGAGGAAATCAACGTTATCTACAAACACCGTCTTCCAACCATCGGGATCCAAGC  
AAGCGGTAATCTTTGTGTTAATTCCAGGCAACGGTCCGGCTTCTCGGGTGACCTTCCCCCG

>trans\_c\_8705 NM\_001071321|Oryza sativa Japonica Group Os10g0463200 (Os10g0463200) mRNA, complete cds

AATTGGAGATAGCTATTGTATTGAGGAAATAACAAGTATTTACTTAGATCTTTCTGCATACGAGGGTGTACAT  
ACTTTGTATAGAGAGAAGGGAGACGAGACATGGGGACAGACAGGGATTGTAGTTCCTAACCA

>trans\_c\_8706 NM\_001111486|Zea mays cellulose synthase6 (cesa6), mRNA gb|AF200530.1|AF200530 Zea mays cellulose synthase-6 (CesA-6) mRNA, complete cds

TCGACCCTCTGAAAGAACCTCCCCTTGCTCACTGCCAATACGGTCTATCAATTCTTTCTGTGGACTATCCAGTTG  
ATAAAGTTTCTTGCTACGTGTCTGACGATGGAGCTGAGCGTGGCCACGGGTCTAGGGTGA

>trans\_c\_8707 AB437345|Prunus mume Pmdam6 mRNA for dormancy-associated MADS-box transcription factor 6, complete cds

TTAGAAAGTAACTTGACAGATAGAGGAGTTGAGCTTGCTACTCTCCATGAGAGACAAAGAAATGGAGAAGCT  
GAAGCCTCAAGCCAAAACTAATCTTAGTGGCTCAGGTTGAACAGAGTACCTCTCCTGGTCCCC

>trans\_c\_8708 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant, complete sequence

AATAGTAATGATTGCGAAGCACCTCTTTTACACTATTTTCGGAAACCTAAGGACTCAATCGTATGGATATGTAAA  
ATACAGGATTTCCAATCCTAGCAGGAAAGGGAGGGAAACGGATACTCCAAAATTCACACAT

>trans\_c\_8709 EU594575|Spinacia oleracea 17S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACTGAGAGCCGTTGCCTATAGAGCCGAGAGCGTAGCTACTTCTTGC GCGATAGGGCACCTCGTTTACACGCGC  
GCGCCGTGTAACCTAGACTTACGCGATTTCGTTGGCGGAATTATACGGGTCTTATAGGGGGGC

>trans\_c\_8710 AB267825|Ipomoea nil In26 mRNA for integral membrane family protein, complete cds

CCAAACACATGCGGCATCATTAACCATTTATATACACATTAATATACATACATACATCTCATATACCATTATACT  
ACCAATCAAGCAGTTGAGTTGAGAACATAACCACTACTACTTCAACCAAAGAATGGAACCT

>trans\_c\_8711 XM\_002333707|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP72A47), mRNA

ACCTATGGATACCCCACTAGGTAATGTCAAATCCCCAATTTGTTTCCTTGTAACCTCTCGAGCTAACATTCC  
AACTGGAGGGTATACCCTAAAAAACAGGGGCACCTTGCCTCCTGAACCGATAACCATCT

>trans\_c\_8712 XM\_002302133|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

TAGAGATGAAAAGTGCCATGAAAATAATACTGGCATAGTTGCTTAGCTCGGGTACAATAAACTGCCCTGTAAG  
CAGGCAGACGGCTGGGAGTGACAATAAGCGATGAGTGGAAGTACGTCATGGATACACAAC

>trans\_c\_8713 EF624461|Oryza sativa (japonica cultivar-group) RING-HC protein 1 mRNA, partial cds

AAGTAAGATGTTACCTGCCCCATCTCTCCTCATAATCGCCATTGGGCACCATGCCATGCTGTTGTTGCGACAC  
CTTTGCTTATAGCATTTGAATTACTTCTTTGTGTATACCTCGAGAGCTTATCTGTTTATGGT

>trans\_c\_8714 NM\_001067106|Oryza sativa Japonica Group Os07g0666900 (Os07g0666900) mRNA, partial cds

ATGGGTTTGTATATGTGACTGAGAGCTCAAGAGTTACCACCAAGCATGCTTTTGCCACATTATCCTTCATTTCT  
GAGACATTTATCTTCGTCTATGTGCGCATGGATGCATTGGACATTGAAAAGTGGAGCTTTCC

>trans\_c\_8715 NM\_001062943|Oryza sativa Japonica Group Os05g0577700 (Os05g0577700) mRNA, complete cds



CTGAGGCCAGAGATACCGAGATGTTGCCCTAGCTCTCTAGCAAATGTAATGAAGCGTTGCTGGGATGCAACCC  
CAGACAAGCGACCCGAGATGGATGAAGTAGTTTCCATGTTGGAGGCCATTGACACTTCCAAGG

>trans\_c\_8716 DQ414681|Cucumis sativus stachyose synthase mRNA, partial cds

CGAGGTGCTTGGGGTGGTGTAAGGCCTGGTGCTACCCATCTGAACTCCAAGATAATTCCTGCAAGCTCTCTC  
CTGGGCTCGATGGCACAATGACTGATCTTGCTGTTGTAAAGATCATCGAAGGAAGCATTGGAC

>trans\_c\_8717 NM\_179290|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related  
(AT1G09160) mRNA, complete cds

AATGTGCAGTCTGCCAAGCCGATCAACCCCCAAACGAAAATTTGTCGATGAACTCAGGGCCTTTCTTTTCACCG  
TCATCGAAGCCATGGGAAGGTCCATTCTCTGTGCACAGGTGATTGTTAACCCCTGTATTGT

>trans\_c\_8718 FJ573219|Eichhornia crassipes plasma membrane H<sup>+</sup>-ATPase mRNA, partial cds

CAAGACAGGAAGTGCCTGAGAAGACCAAGGAAAGTCCCGGTGCTCCATGGCAATTTGTTGGTTTGTGCCCCCT  
TTTTGATCCTCTAGACACGATAGTGCTGAAACCATCCGCAGGGCTCTCAGTCCAAACACAGG

>trans\_c\_8719 Novel Gene

CATCCGGTTTGTGGGTTAGTCTTCTGATTGCTATCATCCATCAATCTTGAGTTTAAATCAAAATCAATGTTAGG  
GAAATTAGTTGTTTCGTTTTGTGTTGTGACGTTTTGAATTTGAATATGTATTATCACTGCTT

>trans\_c\_8720 BT003109|Arabidopsis thaliana At4g33985 mRNA, complete cds

GCGGAAGGAGGGGAGGAGCAAGAAAGAAAGGAATCGGAGCTTGACGCGGAGGATCTGGAGGAATTGAA  
GGCCTGTCTGGAGTTGGGTTTTGGATTTGAGTCCCCCTTAACCTGTCGGCAGAAAAATCGCATTTG

>trans\_c\_8721 GQ997572|Nelumbo nucifera voucher FLAS:S.B. Davis 1076 cytochrome b6/f  
complex subunit IV protein (petD) gene, complete cds; chloroplast

TGGTGACGGGTGACGGAGAATTAGGGTCTGGATCCAGTTGGTTCGTTTGATTTGTGCTCGAGCCGGATGATG  
AAAAATTATCATGTCCGGTTCTTTCGGGGGATGGATCCATAATAATTCACCTATCCTAATAACA

>trans\_c\_8722 M72889|Solanum tuberosum U2 small nuclear RNA, complete CDS

GGAGGGTGAGGGGTGCGCCAGGCCCAAGCTGTAGTGCAACGCATGGGCGACGCTCGAGGGCCCTGGCAGC  
AAGCTACCATGGTGGATCCTCCCCCTTGAAAAATTAATTTAATATCATGTGAGCCGTTCTCATTTG

>trans\_c\_8723 HM063936|Eutrema salsugineum 14-3-3-like protein GF14 Omega mRNA, complete  
cds

AGCAGCTAAATTAGAAATGATTTTTCTCTTTCTGTCTCTTCCCTTTATCTTACAAAGCCTGTTCCAGACTGCTG  
GGATTCCCTCAGTCTAATTCAACTTAATTTGTTATCAACCGCTGGCGGAAACCATC

>trans\_c\_8724 AY700087|Bryophyllum delagoense microsatellite UQBdel107 sequence

AGTGCAAGGAAAGAAATCCATATTAAGATTCCGCTCCTGATTGATTAAAGAACTAGTCATTAATGGTCGGCTT  
CATTGGTATCCTTTCGGTATGCCTTGCGAACACTTGAATTTTGAGCCTCTCACTCGAGAGCTC

>trans\_c\_8725 AF374856|Jepsonia parryi 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACGTTATTGGTGAAAATGTTGGGAACGGTAATAAAACCGGTGCAATTGTTGAGAGCACCGATATGACGCCTG  
ATGACCACTGCAAATACCCTGTCGCGTATTTAAGTCGTCTCGTTTCCTAAGATGGTTAGCGAGC

>trans\_c\_8726 AY189099|Pennantia corymbosa 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GGTTGAATTTCTTCACTTTGACATTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAAACAAAACAGAGATAGG  
ATCGACTAACCCATGTGCAAGTGCCGTTACATGAACCTTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTT

>trans\_c\_8727 EU375348|Glycine max transcription factor (WRKY56) mRNA, complete cds

GAATGAATGGGAACCTCAGGAGTAGTTCAACTGATGAAGAATCTTACAAGAAACCAAAGAAGAAACCATTA  
ACAAATCAGCTAAAATCACTAGAGTTCAAGTCAAAAACACGAAGACTCTCAATAGACACCAC

>trans\_c\_8728 GQ997332|Ilex cornuta voucher FLAS:M.J. Moore 308 photosystem II protein D1  
(psbA) gene, complete cds; chloroplast

AACAACAGATTGGTTGAAATTGAAACCATTTAGGTTGAAAGCCATAGTACTGATACCTAAAGCAGTGAACCAG  
ATACCTACTACAGGCCAAGCAGCTAGGAAGAAATGTAAAGAACGAGAGTTGTTGAAACTAGCA

>trans\_c\_8729 AY596190|Cucumis sativus shikimate kinase mRNA, partial cds

CCGGCGTTCTTGCCGGTGGAATAACAAACTGGCGCATCAAAGATAACTTCCTCAATGCTTCCGTCTCCCTTTC  
TCTAAAGAAGTCCTCCCATAGACCTTGAAAATTCAGCTACAGAAATTCCTGTGTCTTCTT

>trans\_c\_8730 AJ251568|Zea mays PAO gene for flavin containing polyamine oxidase, exons 1-8

ACTACTCTCCGAGGGACAAAAGTTTCGCGTCTCTGAACTTGATTTTTATTGATTTTAGAGCTGGGTTTTTC  
ATTTACTGATCTGGGTTTATTGATTTGGCTTGTGGGTCATTGAGGAAATTTGTTGTTTATT

>trans\_c\_8731 NM\_100037|Arabidopsis thaliana BPS1 (BYPASS 1) (BPS1) mRNA, complete cds

TCAAGAGGCCTCACAGACTAGTCCAGATAGACATCGATCAACTTCTCATTCCAATCAGGGACAGGGAGGTCTA  
ACTCCTTGATAAGATTTTTAACATCACTATGAGTTTCACAAAGCAATTGAGGGATGTGTAGCC

>trans\_c\_8732 NM\_001185268|Oryza sativa Japonica Group Os01g0167750 (Os01g0167750)  
mRNA, complete cds

ACCTTCCCTTCGCCCTTCGAAATTCCACCTGCCCCGAGGGGGACCGGTGAGACCGCCAGCCCAGCTCGACTC  
CGTCCTCCGATCCCGCTCGGAGCCATTCTCACTTACCCCGCGGGAGAAAATCTAATTATAGT

>trans\_c\_8733 X93587|L.luteus mRNA for P0 ribosomal protein

AGCCCCTCGAGCTGTTGACCCAGTTGCTCCAATTGATGTCATCGTCCCACCAGGCAACACTGGGCTTGATCCAT  
CTCAGACCTCTTTCTTCCAGGTTCTTAATATTCCAACCAAGATTAACAAGGGTACTGTCTGA

>trans\_c\_8734 AY940733|Cuscuta campestris F1-ATPase alpha subunit (atp1) gene, partial cds

GACTGATGTTGAAGAATATTAAGGAAGGAGATCTTGTCAAGCGCACTGGATCGATTGTGGATGTTCCGGCGG  
GAAAGGCTATGCTCGGGCGTGTGGTTCGACGCCTTGGGAGCACCCATTGATGGAGTCTCCATCT

>trans\_c\_8735 NM\_001125596|Arabidopsis thaliana CIP7 (COP1-INTERACTING PROTEIN 7);  
transcription activator (CIP7) mRNA, complete cds

AAATCGGGAGCCGACTAACAAAAGCGTGTTAAGAATACATACACTTATGCTTAGGTAAAAGGAAAAAGATGC  
ATTGGTTAGAAGAGTATATGCTAATTGAAGAATATCCCCGAAAAAACTCGCTATATATTCTA

>trans\_c\_8736 NM\_100436|Arabidopsis thaliana CALS1 (CALLOSE SYNTHASE 1); 1,3-beta-glucan  
synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CALS1) mRNA, complete cds

AAATAACAAGACAACATGCGAAAGAAATCAAATCGGTGACCTAGCCTGTACATATCACGGCTTAATGTCTGTT  
CGCCATTCAAATTGGCTATCTTAGCCTCAAACATGGAGATCTGGTTAAGGCCAACATCCCTC

>trans\_c\_8737 AY108498|Zea mays PCO093951 mRNA sequence

CGAATGTGTTGTAGTCACAGCGGTGAGGGATGGTATGAACCTAACTCCTTATGAGTACGTTGTCTGTAGACAG  
GGAATATCCACCTCCCAAAAATGTTTGAACCTCAGCGGACCACGTTTTCAACTCCCAAAAAC

>trans\_c\_8738 HM043717|Salix sachalinensis cellulose synthase 1B mRNA, partial cds

TATGCCAATCGCAACATAGTCTTTTTCGATATAAACTTGAAGGGGTTGGATGGCCTCCAGGGTCCAGTCTATGT  
GGGTACTGGTTGTTGTTTCAATCGGCAAGCTCTATATGGTTATGATCCTGTTCTGACCGAG

>trans\_c\_8739 NM\_124844|Arabidopsis thaliana zinc finger protein-related (AT5G54630) mRNA,  
complete cds

AATGGCGGCAGCAGAAGACATTTGGATAAACCCCCAAGTTGCAGTCCAAGATCCATTGGTAGCAGTGAGTTT  
CTCAACCCAATAACCCACGAAGTTATTCTCAGCAACTCAAATGCGAGCTCAAAGCTGTGCCA

>trans\_c\_8740 AY849316|Malus x domestica sorbitol dehydrogenase (SDH6) mRNA, complete cds

TATGATGTCAATTATGAATCATACTCTTATATTAATTCTTATAAGTGTCTATGCTCTTGATCTTCTGTTCCGTT  
TTTGTGTTGGTGGAATTATGGTTTGTGTGTTAGATGTAATAACAATAAAAAAATTTCAT

>trans\_c\_8741 X68449|L.esculentum U6 snRNA pseudogene (LeU6.1ps)

TTAAGCGCTCTAATCTCTATGCTAGCAGGAGGTACGATAGGGCATATATACCCTGCGCAAGGATGACACGCAC  
AAATCGAGAAATGGTCCAAATTTTTTAACCATAATGCACTACTAAGAGGCACAAGAGAATGA

>trans\_c\_8742 AF370605|Arabidopsis thaliana axi 1 protein-like protein (At2g44500; F4I1.31)  
mRNA, complete cds

ACTGGAATCGTTAGTGAGAGGACTAAGTATTTGATGGTGGTGGTTTCTGGTGGGATGAATCAACAGAGAAAT  
CAGATCGTTGATGCTGTTGTGATTGCTAGAATTCTGGGGCTGCTTGGTTGTTCCATAGAAC

>trans\_c\_8743 EU161364|Angiopteris fokiensis 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCCTACTGATGAATGTCGCCGCAACGGTAATTCAATTTAGTACGAGAGGAACCGTTGATTCAGATAATTGGTA  
TTTGCATCTGTCCGATCGGGCAATGGTGCGAAGCTATCATCTGCTGAGCGGCAATCAGGTAT

>trans\_c\_8744 NM\_125139|Arabidopsis thaliana calmodulin-binding protein (AT5G57580) mRNA,  
complete cds

TTACAAACATCGGTGCGACTTCCTCATTACCCACACGTCTGAGTAATGGTTCCAGTGCATTTGATAGATGTCTTA  
AGGAATTTACCATTACAACCTCCCCGATGATCGAGGCGAAGGACTGGCGTGGGCGTTTCTT

>trans\_c\_8745 AY248742|Lycopersicon esculentum omega-3 fatty acid desaturase gene, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

AAACGATGAACAAGATTGGAGAAATGGCATGCGGGTTAAGCCTCTTAAGCATATGAGTAAACATGGCCAAAG  
GAAACAACATTGGCGAGGACCTGAACCTGACAAAAACAGCAGTGGGAGAATAGCTGACCACTT

>trans\_c\_8746 Novel Gene

GATCGCACCCATGATACATTGTATAAAAAATAGAAAATAAAGGCTTGAAAAAGCCCTTCTTTATCTCTCTTTA  
TTATCTTTATCTACCCCTTTATAGATATATAATTTATTATATTGCGCAATATGGCCGGGA

>trans\_c\_8747 U72693|Ricinus communis phospholipase D gene, complete cds

CAATCCAAGATGGTATGAATCTTTTCACATTTACTGTGCCCATAAAGGCATCAAATGTTATCTTCACCGTGAAGG  
ATGACAATCCCATTGGTGCAACTTTGATTGGGCGTGCATATGTACCACACCACCACACCAA

>trans\_c\_8748 AY973526|Juncus trifidus maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

TAAAAATGCTCCCACTATTGAATTGAACATATATCGAACTGATTGGAAAAGAAATCATAAAGGGGGAGA  
GAGAACAAGATAAGTATGATATGTGAATAATGGAATTTAACGCAGAAGCGATCGCGTCTATG

>trans\_c\_8749 NM\_128185|Arabidopsis thaliana CID7; ATP binding / damaged DNA binding /  
protein binding (CID7) mRNA, complete cds

CTTGTGGCTCAATAAATCACAACCTCTAAGCAGTCCTGGTTGTGGTTCGCTAAAGTCGAGGCCTTCCTCTTCGAT  
CAATATCTCTGTACAGCCACTGGAAGTCTAGCAGGAGTGCGGGAGCCTCGAGTGTGGTGT

>trans\_c\_8750 Novel Gene

AGCAATACCAATCCTCTTGAGAAAACAAGAAATTGGTTATTGCTCTCCCGTCCCTGGAGGTCTACGCGTGTGC  
GAGTGAGGACTCCGCTCATTGATAGATGGAACCTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAGGGAAGTT

>trans\_c\_8751 NM\_001064049|Oryza sativa Japonica Group Os06g0320700 (Os06g0320700)  
mRNA, complete cds

TGGAGGAGCTGGCTGGAAGTGGCATTTCAGATGAGGAGCGGAAGGCCTCTATGGATGTAGTAAATCCTAAAT  
ATATACTGAGGAACTACCTATGCCAGACTGCGATAGACGCAGCTGAACAAGGTGATTTTGGAG

>trans\_c\_8752 AY664417|Zea mays cultivar Mo17 locus 9002, complete sequence

ATCAATCAAACAACTACACCTTAGTTTTCTTCATCATCTCTCCCGATCGCTTCAACTGTTTGAGGGTACTTGC  
ACTTTACTTGCCGATCAAGTTCTTGTTTTCTGGTTTCATCCGTATGATTGGATACTGAG

>trans\_c\_8753 NM\_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);  
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

GAGTTGGCCGGTGTTTCATTCGGGTGACTCTGCCTGTTCACTCCCAACAAAAACAATTCCATCATCTTGCCTCGA  
AACTATCAGGAATTGGACAACAAAGTTGGCAAAGAGGCTAAATGTCCACAAATCGGCAGGT

>trans\_c\_8754 EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA, complete cds

CAATTGCGAGTGTGCAGCAGAATCAGAATCTGACTCCGACGTCCTCGGTAGTATGTGGCCATCCTCACAGTC  
TCTGGACATGCGTAATGCTCACATTGACATCGATCTGATGCGCGGTGCGACATACACGCTGT

>trans\_c\_8755 NM\_001067412|Oryza sativa Japonica Group Os08g0120200 (Os08g0120200)  
mRNA, complete cds

TTGGGGAGCAGGCGCAACGAAATGAACAAGTCCTTCGCAAATCTTTGGTCCTAACTCATATTGCATTGAGCCT  
TCTCTGACTCAGCTCGGCGAAAGCGAGGAGAACTGATAGGTATAATTGGACAAGGTTTTTG

>trans\_c\_8756 NM\_001061468|Oryza sativa Japonica Group Os05g0215600 (Os05g0215600)  
mRNA, complete cds

AGAGGCCTTCCTCTCAGTCTCATCTTCTCCGCCCTTCATTTCACCGAACGCCTTATCAGTATCAAGGCTGTGG  
ATATCATGGCTAGAGTTCTGGTTCAGTCGACAAATATTCCTGGTTTGGTCGGACCCTCTT

>trans\_c\_8757 XM\_002887162|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AP2 domain-containing protein  
RAP2.8, mRNA

GAGATGTGGTTCGGTTTCTCCGCTCTACTGGACCAGATAAGCAGCTTTACATTCATGCTAACCCAATCAATGCA  
CCGGAATTAAACCAGTTCATGTTGTGAAGCTTTTTGGAGTCCCGCGGGGTACAGTAACC

>trans\_c\_8758 EU431190|Triticum aestivum cultivar Torero subtilisin protease mRNA, partial cds

ACTCCGAAAGGCTTTTCCGACGTGGTCACCGGCTGCAATCAAATCTGCTCTGATCACCATTCTTATTCTTTGG  
ACAGTTCCGGCAGCCCAATCAAAGATCTCGCCACAAGCGAAGAATCAAATCCATTCTGTCCA

>trans\_c\_8759 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

TTTTTATTTTATTTTGAACATGGGTTTTTTTAGTCCAAGTGTATCTTGTTTTTACTACGAATTATTTTCCTTGTT  
AACAACAGTTGTAGTTTTTCCAATATTTGCGGGTTTTTATGAAAGAGGGGGAAAGACC

>trans\_c\_8760 NM\_001072649|Oryza sativa Japonica Group Os12g0139300 (Os12g0139300)  
mRNA, complete cds

GGTTTTCGTGCCCGCAACCCCCCGGTCCTTCGAGGCTCGGCTCCTTCGCGCCGTCCCGGAAGGTCGGTTG  
GAGGACAGTCTCCCGGCGAAAGGGTATTTGCCTGATGCGGACAACAAAGAATTATAACAAAT

>trans\_c\_8761 AB000505|Daucus carota mRNA for hypocotil specific gene, complete cds

AACTCTCATTTTCTCCATAACCATTCAAAATGGAGCCTTCAAAAATTTATTCCCTCTTCCTCATTTGCATGCTTT  
TCATTTCTCAGCCTCTCCCATCCTCGGCTGCGGTTTCATGCAGCGGCAAACCCCTTCC

>trans\_c\_8762 AB067681|Pyrus communis PcPME1 mRNA for pectin methylesterase 1, complete  
cds

CAACTTAACTCTTCAGCATCTACCAAAGCTCTTTATTCCACTTCTCAAATCCCTATCTTACAAATCTCCAAGGAC  
CCTTTGGCCCATTCGCTTATGAAGATTGTATGGAGCTTTTAAACGACGCCATTGATGC

>trans\_c\_8763 XM\_002875859|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GDSL-motif lipase/hydrolase family protein, mRNA

TTGTGCAAGGTTTACCACCAAGTGGATGTCTGGCATTATCAATGTCTCTAGCTTCTGTGGACGACAGAGATGA  
TATCGGCTGCGTGAGGAGCCTAAACAACCAAACCTATGGACCCGAAAAGTTTGTGCGAGCGCC

>trans\_c\_8764 GQ998459|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 cytochrome b6 protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

AAC TTTCATAAGCATCGGTATGAATAAAAGCCTGATCAATATAACTATGAATGAGCCGACTTGATATTTGGGC  
ATTATAACTACAAAGAAGACTTTTCGGAAAAAGATTCTTTCGTATCTTGATACACCCCCAAC

>trans\_c\_8765 Y11209|N.tabacum mRNA for protein disulfide-isomerase precursor

TGAAGGTCAGCGTACAGCAGAAGCTCTTGCCGAGTTTGTGAACAGTGAAGGAGGAACAAATGTGAAGATAG  
CATCAATTCCATCCAGCGTGGTAGTGCTTCTGCTGATAATTTTAACGAGGTTGTTCTAGATTCT

>trans\_c\_8766 NM\_116919|Arabidopsis thaliana MEKK1 (MAP KINASE KINASE KINASE 1); DNA binding / MAP kinase kinase kinase/ kinase/ kinase binding / protein binding (MEKK1) mRNA, complete cds

GGATTTTCATTCTGCAGTGCCTACAAGTTAATCCGAAGGACCGTCTACTGCTGCTGATCTTTTAAATCACTCGTT  
TGTGAAAAGACCAGTCTCCAGTTTATCTGGGTCGGCATCTCCTTATAACAGGCCAGGCAG

>trans\_c\_8767 NM\_114447|Arabidopsis thaliana PHOT1 (PHOTOTROPIN 1); FMN binding / blue light photoreceptor/ kinase/ protein binding / protein serine/threonine kinase (PHOT1) mRNA, complete cds

GGGCAGTATGCCCCGTTCCCAAGATTTCTTCTCTACTGTACTCGGTTAGCTCCAGAAAGCTATCAGATGCAAATA  
TAATGGGATTGTGAGGCAATCTAGGATCAGTAATCACAAAGTTTTTTTCTATACGTTCAAG

>trans\_c\_8768 AB525650|Jatropha curcas DNA, microsatellite marker JCT18

CGGGAAGAGCCCTCAAAATATTTTCCAGCTTGATGGCAAAAAATGTGAATGAAAGATCCCAATGAATTGAATT  
GGTTCATGAATCTAAGAAATAATGAGAATTCTTGATCTCTCTAGCTCGAGGGCTTCTTCG

>trans\_c\_8769 Novel Gene

AAAGTGGATTGTGTTGTGCGAAGAGTGC GTTATGACCCGTGGCCGCTGCCTGGTGGGGGCGGCTCCTCCGTT  
GTGGGTAAACGGGAAACCCGACTCTACGAACCCGAGTCCCTGCTGCACAGCAGTAGTCAGGCG

>trans\_c\_8770 Novel Gene

CAAAACGAATCCTATTTTGGCTATTACCTTCTCCATTACTATGTTCTCATACGCAGGAATACCCCGTTAGCCGG  
TTTTTGTAGCAAATTCTATTTGTTTTTGGCTGCTTTGGGGGTGTTTTAAATGAAAAGCTT

>trans\_c\_8771 Y15899|Sinapsis alba mRNA for SIG1 protein

CCGCCCTGAACTAAGTCAGCCATTTTCAGCTCCCATGTTATCATATCTTTGTGCAATAGACATTACCAAACGAAC  
ATTGCTCATCGCTAGCTTCTCTCTTGCCAAGGAACATTCCATCATTCTTGATCGTAATTCTG

>trans\_c\_8772 XM\_002869248|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calcium-binding EF hand family protein, mRNA

AGAGCTACGCAAGAAATTAGAATCCTTCTCTTTGGCTATTTTCAGCTATGGTAAAGTAAATGGAGAATTAACA  
AAACAAGATTTCACGAGCAGCTTCCCAAGTGTGTGGAGTTTCAATCACTAAGAATGTTGT

>trans\_c\_8773 AJ296339|Cichorium intybus X cichorium endivia partial ggtp8 gene for GTP binding protein, exons 1-3

CCCATCACCTATTTTCGGTAATTACTTGTACCGCATTACTAGTCATAGTATGGATATTATATTGTCAGGAAGACT  
ATTTTACCTCTTCTTTATTTCTTTGTTTTTACAATACAATATCCTCGCCATAACGGCGG

>trans\_c\_8774 AJ344275|Lilium brownii chloroplast partial mRNA for photosystem1 subunit A (psaA gene)

TGAACAACAACACTACTCTAATATCATTTTCTTTCTATGCTTTTGCTCTTGCTTTTGATGCTCAATTGTTCTTTCAA  
ACCTGTTGCAGGAGAAGTTCAGAGTTGCAGTTTGGTTTCACAAGAGTATAGGACTGG

>trans\_c\_8775 DQ535868|Cucurbita digitata trnL gene, partial sequence; chloroplast

TGTAGTCTCTAATGGTAAGCGCTCTAATCTCTATGCTAGCAGGAGGTATCCATGCGGCATGCAGTCCCGCAGC  
GCGGTATTAATGACAACCTCGAATCTCTATTTTTTATATTTCTATAGCGGGGCGGTCACTATA

>trans\_c\_8776 NM\_001068170|Oryza sativa Japonica Group Os08g0360100 (Os08g0360100)  
mRNA, complete cds

ATTGTCACATACACCGCGCCTACTCCTCCGATCTCAACACCAGGCTAAGGAACTGACGGTCTACTGCGGACTA  
GACGCAGTACCCGCAAAGTGATTACGCTTAAGTCGTCTCTGGGAAGCCCTACCAATCGCTCC

>trans\_c\_8777 AJ005802|Solanum tuberosum, cultivar binje, mRNA for ferrochelatase

AGCAGTTGACTGGACATCTATGGCAGATTTGATTGAGAAGGAATTAAGAACTTTTGACTTTCCTGAGCAGGTA  
ATGGTATTTTTTAGTGACATGGAGTCCCCCTGCATACGTATGGAGACGACCACTGGTTCC

>trans\_c\_8778 Novel Gene

AAAATTTTTCCCTTTTCTTATCCAAACGTTGCTAGGTAGTTTGAAATTTTCGAGCGTCGCCATGCGTTGCACT  
ACACGGGTTTAAGTTATACAAAACCATAAGGTTAATGCACTACTAAGAGGCACACTCTCC

>trans\_c\_8779 AB437090|Oxygyne shinatoi gene for 18S rRNA, partial sequence

ACTTTGGGTTCCGGGGGGGAGTATGGTCGCAAGGCTGAACTTAAAGGAATTGACGGAAGGGCACCATGGA  
TTATGGGAGTAACAAAAAACCAGATTTGAATGATCCTGTATTAAGAGCTAAATTGGGATTTTT

>trans\_c\_8780 XM\_002883077|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2454, mRNA

AAAACAACCGACCAAGGACAAGTACGTCGACAACCTCGGCCACAGCCAGATCAAGAACATGGCAACCTTCAT  
TGCATAGCATCTCAGAAGCTGGAAGCTAATCATTTATGTTTCCTATTTCCCATGCGCGGTC

>trans\_c\_8781 AJ236706|Humulus lupulus H17SL-1 gene for signal recognition particle

GCTGCCCATTCCAAAGTAGAGAGTTGGGCCTTGGGCTTCGAGCGAAGGCTTGGAGTTCATCGCCACTAGAGA  
TGGAGGAAACCGCGTGAGGCTGGTTTCACAGAGCAGCGTGTGGACCCGAGAACAGCCAAAGG

>trans\_c\_8782 AF195029|Glycine max plasma membrane Ca<sup>2+</sup>-ATPase (SCA2) mRNA, complete cds

AAGGTCAGGGAAGTTGGCAATTCTAGCAAGTGTCCGATTATCGTACAGAGCTTCCCGATTCCGCCGTTGGTA  
TTTTGCTGCAATCGATATTTAACAACACTGGTGGAGAAATCGTCAAGAACAAAGATGGTAA

>trans\_c\_8783 Novel Gene

TTATACAAGGCTGCTCCAAGGCCAATCCAACCTTTTTTACATCTTAGGTACAACCTTAGTGGTAAATCGCCCAG  
AGGATCCTGAACCCAGAGAAAGAACCCGCCCGGTAGTTCAGGTGCATAGAAATGGCTAAT

>trans\_c\_8784 Novel Gene

AGGGCCATAGAGAAACCAGTCCGCCATTGCAGCGCTTAATAACCTTTCTCCTCACTTTCTTTATCCTTTGCCT  
CACTACTACGGAATAATGGCTGTTGAAGTTGATGTGGTTAACAGGAACTGACCCAGCC

>trans\_c\_8785 AY036011|Manihot esculenta phenylalanine ammonia-lyase 1 (PAL1) mRNA,  
complete cds

AAAGTTCTAGAGCGCTCTTCAGAGGGAGAGGTTTCATCCCGTAGCCCTTCGCAAACCTCCACACGAGCACCC  
CTAGGATGCGATTCCGAGCACCTCCCATCGAACCGGTCGACCTCGTACACCGTCTTCGAG

>trans\_c\_8786 AJ491856|Pisum sativum mRNA for GDA2 protein (gda2 gene)

TTGGATAAAAACCCCTTGATGCCTCAAAAATCCCATGTAAGTATGGGTGGTGTAGTTATAGAGAAACAGAG  
GCAAGCCTGGAGTTATTGCACGCACCGAGTCCATCGCCCTTGGAGGCAAACCAAAAAGTTG

>trans\_c\_8787 EF207452|Penthorum chinense inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

GAAATGTGTCTCAGGGGCCGGAGAGACGCCTTGGTGGTGAAATGGTAGACACGCGAGACTCACCCGAGATG  
TAGCAAGAGCGTGGAGGTTTCGAGTCCTCTCTGGAATGTTGTATTCCAATATGCAGATGATTCT

>trans\_c\_8788 XM\_002322619|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

AGAGTGAACCAAGTGAACAAAGATGAGGAGAAACCATTCTTCTATCAGGAACCAAAGTGCAAGATGGATCTG  
GAAAGATGATGGTAACAACAGTTGGTATGAAAAGTGAATGGGGAAACAACCTTTGAGAA

>trans\_c\_8789 GQ998680|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 photosystem I P700  
apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

GGCTTATCTGCAACGGGGTCTTATACCGCTTCGATGTACTTTTATCTTCAACAAGCGGCCCGGCGTTCAATGC  
GGGTGAAGCATATGGTTGCCAGGTTGGTTAAATGCTGTTAATGATGGTATGCATACACA

>trans\_c\_8790 FJ882041|Fragaria vesca blue light photoreceptor (CRY2) mRNA, complete cds

CCAAAAATACTTCATTCCCCATTTCCAGGGAAGAAGCAAAACTTTAACTGCAAAGCAAGAAACAATCACTCTAA  
TTCTGTTGTGTATCCATCCTGTTGCCCAAAGCTCTCTATTCTGCATCAACCAATGGGT

>trans\_c\_8791 NM\_179590|Arabidopsis thaliana ABC transporter family protein (AT2G01320)  
mRNA, complete cds



CAGTGGGGGTGAAAAGAAACGCTTGTCTCTTGCTTGTGAACTGATTGCCAGCCCATCTGTTATATTTGCCGAT  
GAACCAACAACAGGACTTGATGCATTCCAGGCTGAATCCTGTTGTTCTGTGTCATATGTTG

>trans\_c\_8792 Novel Gene

TCTCGGCAACGGATATCTAGATATATCGATGGATATCTATCAAATCGATAAAAACTTTTTTTTAATCCTTAAGG  
TAAATCTATTTAATCTAAAGTAATCTATTCCCAGTTTTCTTTCCTATAGAAGAATCCT

>trans\_c\_8793 AY540517|Echeveria pringlei external transcribed spacer and 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

GCATATGACTACTGGCAGGATCAACCAGGTAGTCCCTCTCACAACCTCCCCTAAAAACACCAGCATAGTATAATC  
AGCGTCGATCATTTGGGGAAAGTGTCATCAGTTCCAACACCTATCCCTTAGCCCCACATC

>trans\_c\_8794 AJ968321|Betula pendula promoter region (mads2 gene)

AAAGTTGGAAGATGGAGATGGCGTACTGAGTGGGAGAAGATTTAAGGAGAAAGGAAATCAAATCTGTTCTTT  
TTCTTATTTGGGGTCTCTTCATTTCACTTCCGATCTGCTTCTTGTTGCGTTAGAGATCTCC

>trans\_c\_8795 NM\_118729|Arabidopsis thaliana PGP2 (P-GLYCOPROTEIN 2); ATPase, coupled to  
transmembrane movement of substances (PGP2) mRNA, complete cds

AAGACGTTGCTTAAACGTGGACAGATTGCTGGAATATTCTATGGTGTCTCTCAGTTCTTCATCTTTTCATCTTA  
CGGTCTAGCCTTATGGTACGGTTCGGTCTTGATGGGACAGGGACTTGCTAGCTTCAAGT

>trans\_c\_8796 AJ619876|Arabidopsis halleri partial gs gene for glycosyltransferase, exons 1-2,  
isolate CH-5

TGTACAAGTTAAATGAAATGGTTAGGTCACTCCGGGTCTTTTTTACTTGATCTTATAATCATTTTCACCCTTGAT  
ATGATTGGTTATATATATGTGTGGTTGTTTGTATCTAAACAACTACAGGACGGGTTAA

>trans\_c\_8797 FJ895887|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf2 (ycf2) gene, partial cds;  
chloroplast

CAATGTACGAGATCTTGTAGCACTTACCAATGAGGCCCTATCGATTAGTATTACGCAGAAGAAATCAATTATA  
GACACTAATATAATTCAATCTGCTCTTCATAGACAGAGAAGAGATCTATCTGCCCTACATC

>trans\_c\_8798 HQ615689|Litchi chinensis actin (ACT) mRNA, complete cds

CTGAGAGATTCCGTTGCCCCGAAGTTCTTTTCCAGCCATCCCTCATTGGAATGGAAGCTGCTGGAATCCACGA  
GACTACCTACAACCTCAATCATGAAGTGTGATGTGGATATCAGTTTTCTAAACATACCACCA

>trans\_c\_8799 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

GGAATTTTTGAACTTTTTTTTGGAAAACCCCCGCCAAATCATCGTGGTTCTAGTCTGAATCTAAGGTTTTAATT  
GATTCATAGGGTCTTAACAAGATAATTCCTATCAATAGCCGGAGGGGACCGAGTTTTCA

>trans\_c\_8800 AF123509|Nicotiana tabacum Nt-iaa4.1 deduced protein mRNA, complete cds

ATATCTGCGTAAGGTGGACTTGAAGATGTACAAGAGCTATAAACAACTCTCTGATGCTCTTGCTGCCATGTTTG  
GTTCTTCACCACAATTGGCAACTGTGGATCTCATCTTTACTTCGAGGGCAACTATGTTT

>trans\_c\_8801 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

GTCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAAAACATTTTGATAATAATAAGTTTGATCTGTTTTACCGAGAAGGTC  
TACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCAATTTCCATAATGCACTACTAAGAGGCACACTC

>trans\_c\_8802 M37430|Pea Chloroplast 4.5S, 5S, 16S and 23S mRNA

GTCACCGCAGTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTCCCTCTCACTCCAAAGTCACTGCG  
CTGTAGATACTCTCTCAACTGGCTCTGTAACACTACTCCCTTTTTTGGCCTCTGGTTTT

>trans\_c\_8803 AB333874|Glycine max mRNA for peroxisomal glycolate oxidase, complete cds

GGCACTCCAAGGCTTGGTCGCAGGGAAGCTGATATCAAGAACAGATTTACTTTGCCACCATTTTTGACATTG  
AAGAACTTTGAGGGATTGGATCTTGGTAAATGAGTGGGGCAGATGACTCTGGACTGGGGA

>trans\_c\_8804 Novel Gene

AGACGACTTATATACGTAGTGAAACGAAACGTCATCAGATCAGTATGACGACGTGGCAACAATCCAGTGTCA  
GGATGATGCGCTTCCGTGTCAAGGGGAGTAATGGGCATGGGCCTACAGGACAGGGGCAGTT

>trans\_c\_8805 Z68759|R.communis mRNA for amino acid carrier

CGCCGGTCCAGCGTTATGTTTTGTTTTCTTTGGTTACTTATTATACTTCGTTCTTCTCTGCTTGTTACCGC  
TCCGGCGACCCTGTTTCCGGCAAGAGAAATTATACTTATATTTATGCGTGGACAAAAAC

>trans\_c\_8806 AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA  
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

TTCAAAGGGTTCTCGATGTCTTACACACAATTTTCTTATCTATACCCCTCCATGTTTGTGTTCGTCAGGCCCTTTC  
TTGAATGAATTCAATTAGATGTTAATGTAAATGAACCATAACTATGTAGCCCTATCCC

>trans\_c\_8807 DQ344582|Mimosa brevipetiolata tRNA-Leu (trnL) gene, complete sequence;  
chloroplast

GGTGTTTATGGCTCTACGGTCTCTTCAAGGGAAAGAGATACGAGAAGAAACAAGATAAAATCAACCTTAATG  
GCCGACTTAAAAGGAAAACACTACAGTTTGTCTGACCGATAGACTCCGAAGTAAGTGGCACACC

>trans\_c\_8808 NM\_122180|Arabidopsis thaliana ATCSLA02; mannan synthase/ transferase,  
transferring glycosyl groups (ATCSLA02) mRNA, complete cds

GAACTCAGTAGGAACTCCAAGGTCAATTCACCTTCTTCTACTGGATCCTTTTCGAAAATGTCATGTCGTTGCA  
CCGTACGAAAGCAACATTGATCGGTCTATTGGAAGCCGGTCGAGCCAACGAATGGGTTG

>trans\_c\_8809 EF121763|Cucumis sativus Cu/Zn superoxide dismutase mRNA, partial cds

AAGGGCGGTTGTGGTTCATGGAGACCCTGATGATCTTGGAAGGGTGGACATGAACTCAGCTTAAGTACAGG  
AAATGCTGGTGCTAGAGTAGCCTGTGGCATTATTGGTCTGCAAGTGGCCTCGGGTGGTAAGG

>trans\_c\_8810 EF207457|Saxifraga stolonifera inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AAGAATTGGGGCCTCACAATCACTAGCCAATATGCTTTTCTCTCATGCCTTTAGGAAAGGGGAAGGAGATATT  
CTGGTGTCTAGGCGTAGAGGAACCAACCAATCCATCCCGAACTTGGTGGTTAACTCTT

>trans\_c\_8811 CT029826|Poplar cDNA sequences

CTGGACGACGAGTGACGACAATGGAAGTACAGCCGAGAACTTCAACGAGAAAGACGAAGAATATGTTGAAT  
CCAGCGTGGTCGAGGCTGTTGAGGTGAAAAGTGGTGCAGTACCCCTACAGCCTTTCACAGAA

>trans\_c\_8812 Novel Gene

AAGCAAATGGATGGATCATCAGATAGCTATATGAATAGAGAGAGAGACAGAGACAGAGACAGAGAGAGACA  
GAGACAGAGAGATCATGTGTGAGTTGGTTAATGGCAAAGGCTTCCAAGTTCGGGATGGATTGG

>trans\_c\_8813 CP000584|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 4, complete sequence

ACGATCAGAGTTGTCTTCCTTGTGCGCGTCATCTCTTATCTGAGTTCCTATATATATTCTACTCAATTGTTGAG  
TGTTGAGGAATAGGATTTGCCTTTATTCTTAAGGGGCGGCGGAAGAGAATGATTACCT

>trans\_c\_8814 DQ840440|Prenanthes purpurea maturase K (matK) gene, complete cds; and tRNA-  
Lys (trnK) gene, partial sequence; chloroplast

GGTCACACTCTGTGTAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGGGTGCCCCGGGACTCGAACCCGGA  
AGTCGGATGGAGTCGATAATTTACTTAAAAAATAAGTACTCCCGCCGTTTACCCGCGCTT

>trans\_c\_8815 EU650387|Coffea liberica isolate CCC1025 26S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

ACGTCCGAATTGTAGTCTGGAGAAGCGTCCTCAGCGGCGGACCGGGCACAAGTCCCCTGGAATGGGGTACCG  
GAGAGGGTGACAGTCCCGTCGTGCCCCGACCCTGTGCGACACACCGTGTACACCGCTGGT

>trans\_c\_8816 DQ125945|Populus tremula x Populus alba glutamate decarboxylase mRNA,  
complete cds

AATGCCCCATTGGGTGATTCTGAAACGGCAGTGGGAGTTGGAACAGTGGGATCGTCAGAGGCCATAATGTTG  
GCTGGTTTGGCTTTCAAGAGAAAATGGCAGAACAGAAGGAAGGCTGAAAGCAAGCCCTATGA

>trans\_c\_8817 XM\_001702155|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TATACCAGGTACCCAAGGGAAATAACCTTGATACAAAGATAAATAAAAACAAAGCCCGGTTGACATCATACAT  
GGCAAGACATTCTCTGGCTAATACAAACACCCGTCGCGCCCGCAGCAGTGGTACCCGATCC

>trans\_c\_8818 XM\_003058050|Micromonas pusilla CCMP1545 dp-like protein, mRNA

GGCCGAGCTAATCACGCTGGGGAGCGCACGGAGGCCTTGAACGATATGGTGGTGGGGCTGGGCTGCTGCC  
TCGTGGCGGTAGCCGAGAAGGTTGGGGCGACGAAGACGGCGGAGGAGGAGGTAGCGGCCATTG

>trans\_c\_8819 AP009368|Olimarabidopsis pumila chloroplast DNA, complete sequence

TTTCTATCTCACTTCACACCTTGAACGCACCGTGAGATATAGAGAGAGAGGCGCTTTCACATCTTCTTAACCC  
GAAATGGCAAATGGCTGGGGAGAGAGGGAACCTTTTTTTTAGGGTACCCCCCCTTGTC

>trans\_c\_8820 AB458444|Oryza sativa Indica Group Kasalath DNA, corresponds to the Nipponbare  
Pup1 region on chromosome 12

GACGTATGATCATCGTATCCTGGTTAAACCGCCTCGCCTTGTTCTCCGAGGGAGGGGAGGTCCGGGCTAGGG  
CGTCCGGCGATGCAATAGCGTGCCCGCGTGGGGTCTCGTTTTAGATGTGTATGCGTTCTAA

>trans\_c\_8821 Novel Gene

TCTCTTAGAAAGAGCTGCTAAATAGCTAAGTTGAGTGAACATGAACGATCCAGTTATTCCGTTTACTGCCAGG  
GTGTGGATCAAGAGTACGCTAATTCGCGCCTTTGTTGGCACAGCTCTCGCGCAGTCGTTCA

>trans\_c\_8822 Novel Gene

ACCAGCAACCAGCAGCACAGCAGCCATCGCAGCAACAAGGTGGATATATGTAGATGACAAGTTCTATTTCTTT  
TGCCTCACCTCTCACTTCGAACGAGACCCTAACTTCTGCTTGTCTAAACATCTTCTAAAA

>trans\_c\_8823 AB331360|Liriodendron chinense chloroplast rpl2, rps19, rpl22, rps3 genes, partial  
and complete cds

TCATTGAACCAGGGCTCGTATCTACCATTATACCCACAATGATTGGGCATACTATTGCTATTCATAATGGAAAG  
GACCATTTGCCTGTTTATATAACGGATCGTATGGTAGGTCATACCGGTTTCTGGCCTATG

>trans\_c\_8824 XM\_002311087|Populus trichocarpa pseudo response regulator (PtpRR7), mRNA

TCAAGGATCTATGGTCTGCTGGGAGAGATTTCTACATCTTAGGTCTCTGAAGGTTCTGCTTGTGAAAATGAC  
GACTCCACTCGCCATTTAGTCACTGCACTGCTTCACTATTGCAGTTATGCCTGCCGGTAAC

>trans\_c\_8825 AJ010950|Capsicum annuum eg2 gene

GCAGCACATTGTATGTATTACCCGCTGATTTTTCTTTTTACTTTTTCCAGCTATTCATCACAAAGGAGATTACCC  
GGACATCTCAACTGTCGTCGTGAATTTGCATCAGTTTCTGTACTCTAAAGTCTGGAAGT

>trans\_c\_8826 CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

GCCCGTGCTGGCGACAGGCCCTGAATCTCCATTTATGAGCTCTACGGCATACTAGTCTCTGAGTGGAAGAGGA  
AAACCAAGACATTCAACTTTTAAATTATTATACACCGACTGTCCCTGTTAATCACTACTC

>trans\_c\_8827 GQ997942|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

AGATTGGGTCACTAGTTATCCTGTCTTGAAGCGGACTCAAAAGATCAACCGGATTGAGTTTTCACTATTATTTT  
TATGTACTACCATATGTGTATTACCATAACACAGCCGATTGAGCACCCGCAGACAAGCAA

>trans\_c\_8828 AB062360|Phaseolus lunatus SAMDC mRNA for S-adenosylmethionine  
decarboxylase, complete cds

TCGGATACAGCATTGAAGACGTCCGACCACACGGTGAATCAAGAAGTTCAGATCTGCTGCTTACTCCAACTG  
CGTTGAAAGCCATCCTGAGTTTTGCTGAGTTTCGTTTTCCCTGCGCCCCCGGATCCTTAG

>trans\_c\_8829 NM\_001056881|Oryza sativa Japonica Group Os03g0411000 (Os03g0411000)  
mRNA, complete cds

CATCTCCAGATTCTAGATCATCTGCTGCAGTTGGAGCTATAAAACGTGAAGTTGGGGCAGTAGGTGTTTCGTCG  
GCAATTGAAAGACAGTTCTATAAACCAGTCTTCAGGACCAAGTGTCTCTCTTGCAAATTCT

>trans\_c\_8830 AB009887|Nicotiana tabacum mRNA for carbonic anhydrase, partial cds

TCACTACGACTTCATTAACGGAACTTTCGAGCTCTGGGGACTCGAATTCAACGTTACTAAGCCTTTGTCTGTAT  
GAACTCCAACTATTACCGGCAAGCTAGCTCAACCCCTCTGTCAGCCCCTCCTGCGCAGC

>trans\_c\_8831 XM\_002876679|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L1 family protein,  
mRNA

TGTAGCACCTACATATGTGAGCACTTTTCCAGTATACACCTTTTGCACCTGATGGCTTATTGGTTTCTATTGATT  
TTATGGCAGCAAGCAAGTTTATGAGAAGGTCCTCTTCGCTGAAGTTGGCTTTTCCAAAC

>trans\_c\_8832 X15704|Zea mays tandem genes for alpha1-tubulin and alpha2-tubulin

CCGCCAACGAAAATGTTGGGAACGGTAATAAAACCGGTGCAATTGTTGAGAGCACCGATATACTGCGGACTA  
CTGGTGACGTTTATGGGACAGCGCATAGTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCG

>trans\_c\_8833 CP001576|Micromonas sp. RCC299 chromosome 10, complete sequence

TGTGCTTGTAAGTGGGAAGCTGCAAAGGAGCAGTCTCTGTGGGTGATGAAGTTGATTCCTCAAGGAATATC  
CCATTGCCTGAAGAGCCAAAACGGAAGAATCTGATTGAATGGGTATTGAGGAGACGGAAGAG

>trans\_c\_8834 CT029800|Poplar cDNA sequences

TTACACATGTTCTCCAAATCCATTGTTTTATCTAAGTGTAGTCCCAAGATCAAACCTTGAACAAATCGCTTCAC  
AATCTCTGCTTCAACCTCCGTTCTTCTGGCGGTTCTCCCCTTCTTCAAGCAGCCAAGC

>trans\_c\_8835 NM\_104291|Arabidopsis thaliana RSH3 (REL1/SPOT HOMOLOG 3); GTP  
diphosphokinase (RSH3) mRNA, complete cds

GAGCTCGATTGGAGTTGGGTGCAATGGATTCTTCAATGGGTCTTGAGGAATGCTTCAGGATCATATGTGGAT  
GTTTCATAGAAATGCTCTTGATGTGAGTTCATCGGCTGTGCTCATGGATGAGTTGACTTTCA

>trans\_c\_8836 GQ274628|Eragrostis tef microsatellite CNLTs355 sequence

AAGAGATAGCGCGCGGCATAGACCAAACACTCATTTTGGTATAAGTTTTACGACAATTGGGCACTCACATCTC  
TTCCAAGAGAGCTTTCGTATTCCAATTACGTGATGATTCTCCGTGTGAGAGTACTCACACC

>trans\_c\_8837 AY022627|Oryza sativa microsatellite MRG4952 containing (CAC)X9, genomic  
sequence

GGATATGCGTACGGCGGTTACCCACCGCCGCCGAGGCAGGGTATGGATATGCGCCGGTGCATCAGGCACA  
GAGGCCACATAAGAGTGGTGGTTTTGGTGGTATGGCTTTGGGAGCCGGAGCTGGACTGAGTTT

>trans\_c\_8838 U81289|Pisum sativum NAP1Ps mRNA, complete cds

AGATTCTCGCAACTGCTCCGGACTGTAGCTTCTTCTGCTGAGAGCGGAACCGAGATCTGAGACATTGAAGTTG  
TCCTTGTTGTTACTCATTGAGAATAGTGATGAGTAGAGAAGGAAGGGGAAGGGGAAGGGGA

>trans\_c\_8839 FJ664262|Annona cherimola disproportionating enzyme 2 (DPE2) mRNA, complete  
cds

AGAGCTCGAAAGAGAGGGAATATGGGACTTTGATCGCTTGAGTCGTCCATATATCAAGGCTGAGTTTTTACAG  
GATAAATTTGGAGCTGCATGGGGGTTTATTGCGTCACACTGGAGTGGCAGTATAGTAGGAC

>trans\_c\_8840 X67028|P.hybrida mitochondria genes rps19, Yrps3 and Yrpl16

TGGGGGGGGAGCAGAGCAGTCAAAGAAGAAAGCAAAGAAAATGATTGTTCTCAAATGGCTATTCCTCACAAT  
TGCTCTTTGTGATGCAGCGGAACCATGGCATAATCTCGGGACCTCTATGATGGTGTTCGCT

>trans\_c\_8841 X69140|O.berteriana mitochondrion DNA for ribosomal proteins S3 and L16

TACAGAAAGTCAGAAATGGGAAGAGGAAAAGGAAATCCTACGGGTTGGATTGCTCGTGTGTCCACGGGACAAA  
TCCTATTTGAAATGGATGGTGTGAGTTTGTCAAATGCTCGACACAAATGGCACCCAGCCACG

>trans\_c\_8842 NM\_001061018|Oryza sativa Japonica Group Os05g0119300 (Os05g0119300)  
mRNA, complete cds

AATTTTCAGTTGTTATTAGAAGCTGATAAACCATGGGGGGTGGAAAAGATAAACATGATGAATCTGACAAAG  
GTTTATTCTCCCATCTGGCTCATGGTGTGCTCATGGAGCTGGAGCGAAGGACCAACAAGA

>trans\_c\_8843 XM\_002503662|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7 Ca2+:Cation antiporter  
family (MICPUN\_60300) mRNA, complete cds

TAAGGTCTCACCGAGTCTCTGACGCATCTCATTTGTGATGTTCCAGGGGTCGATCAGAGGTTGGGCTTGCTTC  
TCCCCACCTTTTAGCCTTCTGGGCCCCCGAAAGAAAAAAGAAAGAAGAGAAATTCTTC

>trans\_c\_8844 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

CCGACGACATGCCGCAAGGCGAGATCAGATGGTAGTGCATGAAAATATTCATCATTCAAATGCAGAAATGAT  
GGGTATAATCATCACGCCTTGACCTGAGCAAGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACA

>trans\_c\_8845 AB079577|Suaeda japonica mRNA for RelA homolog, complete cds

TGTCTCAACTTAGTCTAAACTCCAAGCTTGACGCGAGAACAATACAGCCAACAAAAGTGTGAGGCAGATCG  
CTTGCATACCATGTTCTTGCCATGGCAGACACTAGGGCCGGGAGGTGTCCCGGTTAATC

>trans\_c\_8846 AF274565|Petroselinum crispum immediate-early fungal elicitor protein CMPG1  
(CMPG1) mRNA, complete cds

AACAAGGGAGAGAGAAGCTTTATAATAATGCACTAACTATTCCACTCTTAGTCAAGAAGATCCTAAGAGTTTC  
AGAGTTAGCCACTGAATATTCTCTGTCAATATTGTTGAAGCTCTGCAGAGACAACAGAGG

>trans\_c\_8847 CP001333|Micromonas sp. RCC299 chromosome 15, complete sequence

TCCATCAGAACTCCGCAGTTAAGCGCATCCACGCGAGAGTAGCGTCGGACCAAACAGTTGTCCAAAGGACTT  
CTACACCATGTTTTCTATTCCAATTACGTGATGATTCTCCGTGTGAGACATGAGTGTGGA

>trans\_c\_8848 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

GTGGGAGAGCAATACGGGACACTGCAAGGTGGGTAGTTTATCTGGGGCGGATGCCTCCTAAAGAGTAACGG  
AGGTGTGCGAACCATCCGAGTTCGAGTCTAAGACGAGCACTCGCATGCAACATAAGCCTGCC

>trans\_c\_8849 AP009366|Aethionema cordifolium chloroplast DNA, complete sequence

TAAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGCGTCCAATAGGATTTGAACCTATACCAAAGGTTTAGAAGAC  
CTATGTCCTATCCATTAGACAATGGACGCTTCTCCAGACTACAATTCGGACGTCGAGGACG

>trans\_c\_8850 AJ536402|Oryza sativa snoR16c snoRNA

CGGGGGCATTTCGTATTTTCAGCAAATGATGTAGATAAATTCTTATCCTACACACTGAAGTAAATGTAGACTATAA  
CTCCGCTTATTATCTGATGCCTAATTACGAAAACAAGAAAGCAAGAAGGTCCTCCCTCCCC

>trans\_c\_8851 AF364866|Helianthus annuus carbohydrate oxidase mRNA, complete cds

GGTACACCAACCAAAGTGGTCTGTTTAGTGACACCATCATCTTTAACATTTATTTGGACAACCCAAAACAACTG  
GCAAGAGTGACATCAACACATCATCTCAAAGTCTGAACAAACAAGTCCGGCTATGTACC

>trans\_c\_8852 XM\_002864198|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH-dependent glutamate  
synthase 1 gene (GLT1), mRNA

AAGCAAATGTTCGCACAGGTTACAAATCCTCCCATTGATCCCATCAGAGAAAAGATTGTGACCTCCATGCAAT  
GTATGATTGGTCCAGAAGGGGATCTGACTGAGACTACTGAAGAACAATGCCATCGGCTCT

>trans\_c\_8853 AY290701|Capsicum annuum zinc finger protein PIF1 mRNA, complete cds

AATTCCCAATTCCTCTGAATTCTCAACCTTCTCCTTCAACTATGGCTCTCCAAGCTCTCAATTCCCCAACCATGGC  
CGTCGCCCCCTCCCCCTTTCACTTCGATGAAGTCTCCTTCTAGCTAAGGCCCTAA

>trans\_c\_8854 EU447160|Vitis vinifera cullin 1 (cul1) mRNA, partial cds

AGAACCAAAGTATTTTGAAGAGTATCTGAGCAATAATCCACAAGCTAGTCCTGGAATCGACCTAACTGTTAC  
TGTTTTGACTACTGGATTTTGGGGTTCTCGTGGACTCAAACAGGAGTCAAGTCCCCAGAG

>trans\_c\_8855 EU600086|Pueraria montana var. lobata 16S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGTGTGGCTTTTTGGGGGCTGTTAAACGCCGCTACGCGCCCTTTACGCCAGTGATTCCGAGCAACGCTAG  
CCCCCTTCGTATTACCGCGGCTGCTGGCACGAAGTTAGCCGGGGCTTCTTCTCCGGGTAC

>trans\_c\_8856 Novel Gene

TGGTCTAGGGAGCGCAATTGCTAGAGCACGGGAGAATGAATAGTAATGATTTTCAAGAGCAGCCGGACG  
GACTACTATAGTGAGTCTAGTGACTACGTGAGTCGAGTTGAGTCAGGGAACGCAACGCGACA

>trans\_c\_8857 AB233276|Hibiscus elatus matK gene for maturase, complete cds, trnK gene partial  
sequence, haplotype: Z

TTAATATATATATAGACTTGATAGATTATTTTGATATGATAAATTAGTTCACTATCATCATTAAATATGGGTTG  
CCCGGGACTCGAACCCGGAAGTAGTCGGATGGAGTCGATAATTTACTTAAAAAAATA

>trans\_c\_8858 NM\_001111847|Zea mays beta-6 tubulin (TUBB6),  
mRNA gb|L10633.1|MZEBTUB6A Zea mays beta-6 tubulin (tub6) gene and mRNA, complete cds

GATGCGAATGCTTGGTGCCTTTTCAATTTTCCCTCTCCCTCTCTCCCTCGGGACATTGGTCCTCGTTGAATTC  
ACCATCCAACATCTTGCTTTTTTTGTAGTCCCTAGGGGGTATGGATAAAATAAAACC

>trans\_c\_8859 BT005894|Arabidopsis thaliana At2g26470 gene, complete cds

>trans\_c\_8860 FM173164|*Helichrysum felinum* chloroplast psbA gene and trnH spacer region,  
specimen voucher BOL Bergh 1194

>trans\_c\_8861 CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

>trans\_c\_8862 NM\_001063126|Oryza sativa Japonica Group Os06g0112100 (Os06g0112100)  
mRNA, complete cds

>trans\_c\_8863 XM\_002535196|Ricinus communis carboxyl-tansferase, subunit of Het-ACCase,  
mRNA

>trans\_c\_8864 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

>trans\_c\_8865 AF195029|Glycine max plasma membrane Ca<sup>2+</sup>-ATPase (SCA2) mRNA, complete cds

>trans\_c\_8866 Novel Gene

>trans\_c\_8867\_HQ163774|Morus alba actin 2 (ACT2) mRNA, complete cds

>trans c 8868 CP000583|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 3, complete sequence

ACCTATCGTGATGAAGGCGGCGGAGAGAAGCACAGACAAGAAGACGACGGCGGCGTTATGCATTGTTGGAA  
GTTCTGTATAGGGAGAAATAGAGAGGAAAAGAGAGAGAGAAAAGGGGAGGCGGAGAGATGATG



>trans\_c\_8869 NM\_179479|Arabidopsis thaliana carbohydrate binding / catalytic (NDF5) mRNA, complete cds

ACATTCGAAGGAATCGGCGATGAATGCCTTGCGAAATTGCGGTTAGAAAACGGTGGTTCTGCGATTCTTATGT  
TCCCCAGTGGATTAATTACCTCCTACAAATCTCCGATGTGGCATGGAGGATCGGTAGAGC

>trans\_c\_8870 Novel Gene

TTTGGAATACCTTTTTCTTATTTACAATTGACAGAGACCAAAGTCATCTATTAAAATAAGGATAATGTGTCGG  
AAATGGCCGGGATAGCTCAGTTGGTAGAGCAGAGGACTGCGGAACCGGCACACTGTTCGG

>trans\_c\_8871 XM\_002893541|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycyl-tRNA synthetase, mRNA

TCAGGTTTGCTGCCTGGGTACATGCGCCCTGAAACAGCACAAAGGCATATTTGTCAATTTCAAAGATTTGTATTA  
TTACAATGGAAACAACTACCCTTTGCTGCCGCACAGATTGGGCAGGCGGGGCTTTTAC

>trans\_c\_8872 Novel Gene

TCCATCAGAACTCCGCAGTTAAGCGCATAACAAATAGAGACGATACTAAGTTGGGTGACCACCTGGGAAGTC  
CTCGTGTTGCATCCCTCGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGTGCAGACACAAG

>trans\_c\_8873 NM\_001056568|Oryza sativa Japonica Group Os03g0335200 (Os03g0335200)  
mRNA, partial cds

CCACGGCCTACAAGCTGCCAGCCAGTAAGCATAGCAAAAGACCATGCCACAAGAAAACGAGTTTAAGAAAGA  
ATACCGTAACATCTAGCATGACATATTAATGGTATCATCATCAGCTTTACCTTTTCTTT

>trans\_c\_8874 GU985583|Helianthus annuus isolate Ann1238 MADS-box transcription factor  
HAM75 mRNA, complete cds

AGATCAAACAGATATCCTGAACAAACAACTGGGATGCAAGATCAGTCTAGCTTCTCTCATGATGACCCCATGC  
AAGCATCATCTTCTGAATTTAGCAGTACAGGTTTTGCTGCTGATCGGTGTTGTCCGTGTG

>trans\_c\_8875 NM\_001071007|Oryza sativa Japonica Group Os10g0376200 (Os10g0376200)  
mRNA, complete cds

TCACACCACTCCACCTTGTTCCAAATTGAGAGTGTGCAGTCCCTTGGGCAGTGATCCAGGGTTAATGTGTAGTA  
TGAGGTTGCCGGACAAATTGACAGATCTAAGACCGGATAGGTGTGAGATTGTGGGTATG

>trans\_c\_8876 Novel Gene

CCCATCTCTTTTACTATGAACTTGACGGGTGACGGGGTTAGGAAGAAATCTGTGACTCATTAGAAGAAATTT  
GTTTCCTTTAAGTCATAGTGTATTTGGGTTACCAATAACGCCCAAATTAATAACGGGGT

>trans\_c\_8877 Z00044|Nicotiana tabacum chloroplast genome DNA

TTAGAACATGTGCCAAATATTTCCATATTGATACATATTCAATATATGTTCCAACAATGTGACGAAGAATGGAG  
ACGAGAACGATACTTTAATTACAGTATTGAGTTTATAATATGTCGAGCTTGTGAACAG

>trans\_c\_8878 NM\_128111|Arabidopsis thaliana CESA10 (CELLULOSE SYNTHASE 10); cellulose  
synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CESA10) mRNA, complete cds

AGGTCAAATGCCACTCGCTCGAAGTCGTCCAAGAAAGCTGCCAAAACCTGGGATTCGATGTTTCATCTGAGAG  
TAAAGAACGTGGGACAAAGAAGTGGAAGCCACACAGTTTTCTGGCGGAAACTCCGTTCTCG

>trans\_c\_8888 XM\_002876632|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein, mRNA

ACGACAAATCCTCCTAATACACCACCTCGAGCCTTGTCGATTCCGAAACAATTACCAATCTCCTTAGCCACATT  
AAGCTTCTGATTCGCCGTAGGACGGCTGCTCTTGCTGCCCTTGATGCCGGCCTCTATG

>trans\_c\_8889 GU811870|Oryza sativa Japonica Group cultivar Leah NBS-LRR class disease resistance protein (Pi-km2) gene, complete cds

TGAGGAATACGGGAGAAGAAGAACGTCATCGGCTCCGACGACCTTCAAATTGACTTAGTTAGGCGATCCACG  
GTTGTCATTCGTGCCCTGGTTTACATCGTTATCTAGCTATGGAGATTGCACCGGCGGCACA

>trans\_c\_8890 AF161180|Malus domestica high molecular weight heat shock protein (Hsp2) mRNA, complete cds

TGTGATTAATTTTGAGAGAGAAAATGGCTTCTCGTTTCTGGACCCAGGGTGGTGGTAGTGGTTCTGATTCTGA  
AGCGGAGGAGAGTGACTATGGTGAAGAGCTTGATGACATTCAGGTTGATCCCAACGCCCA

>trans\_c\_8891 L41345|Lycopersicon esculentum ascorbate free radical reductase (AFRR), complete cds

GAAGATTAGAGAGGGGAGAACTGTATTTTTCTCCTGGGAAAGGAGCCAGGGCTCTTCTGGCGGGAATCTTTGA  
AACAACCTCTGGATTCTTTTACAACCCAAAAAGACTACGATGGGTTCAACTCTTGAGAAC

>trans\_c\_8892 AY059846|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g42090; MJC20.20) mRNA, complete cds

GAGACGACCGCCATGGCTGAAACCGAAGACATCGAAGGGAATGATGGGTCGATTGTCATTTCTGATCTCGGT  
GAAACGAATCTCGGCAAAAGAAGAAAAGGGTAAGAGGAAGATGATGAGAATAAACATGGA

>trans\_c\_8893 FJ388886|Medicago truncatula plastid carbamoylphosphate synthetase large subunit (CPSI) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

TCTCCGACGACATGCCGCAAGGCGGGAAAGTTTTAATATAAGCGGTAGCTTCACCAACTGATTTTCATCTGAGT  
TGTCATATTGGTTGAGAACCTGGGAACCTTTCAAAGCAAATCTAGGAATCTTTGTCA

>trans\_c\_8894 AB491658|Prasinococcus capsulatus chloroplast gene for 16S rRNA, partial sequence, strain: MBIC11011

CTGAAAGAGGTTTACAACCCGAAGGCCGTCATCCCTCACGCGGCGTCGCTGCATCAGGCTTGCGCCCATTGTG  
CAATATTCCTCCACTGCTGCCTCCCGTAGGAGTCTGGACCGTGTCTCAGTTCCAGTGTGG

>trans\_c\_8895 AF336307|Malus x domestica auxin-repressed protein like-protein mRNA, complete cds

GTGGTAGAACTTTGCTACCAAGACTATTGGTGCTGAAGTCTTCGACAAGCCTCAACCCAATTCTCCAAGTGT  
TACGACTGGCTCTACAGCGGTGACACCAAGAGCGAGCACCACACCTGTATGGTGCAGA

>trans\_c\_8896 Novel Gene

ACTTTCTTCAATTATTCCTGGGATGGGAGGGAGTAGGTCTTGCTTCATATTTGTTAATTCATTTCTGGTTTACAC  
GACTTCAGGCAGATAAAGCAGCTATCAAAGCTATGCCTGTCAATCGAGTAGGTGATT

>trans\_c\_8897 DQ191662|Solanum tuberosum elongation factor-like protein mRNA, complete cds

AGGCGTTCATATGGAGGGATTGCTTTGGGGAGCATCCAACTCGTCCCTGTTGGATATGGTATTAAGAAACTA  
CAGATAATGCTCACAATGTGGTCGTCAAGGTGTGATTGGTCACCAAGACAACCTCCTGT

>trans\_c\_8898 XM\_002892087|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AAA-type ATPase family protein,  
mRNA

TCTGGAAAGCATGCTTATATATTTCAACAACCTCACTAGCGATGATTTTGCTGTTTCTGGCCTGTCTTCTGTAAAC  
ATTTTAGAAGCCCATTTGTGCTCCTGTTAAGGGGATTCATTTGAAAGAAAACCTGGCC

>trans\_c\_8899 EU042812|Samadera sp. C-Ford 4679 AtpB (atpB) gene, partial cds; chloroplast

CCCGAGGAGAGAGCTCCTTGATCGCGAGCCCCATACCGAAAAAGAAAAGTTTGAAGTGAAGAAAGCATGTC  
CGAAACCCCGCAAAGAAAGAAGCAGAGCAGAGTCTGAGAATTCCATAGATTCTGAAAAGC

>trans\_c\_8900 AP009371|Capsella bursa-pastoris chloroplast DNA, complete sequence

AAGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGCCTCAATAGGATTTGAACCTATACCAAAGGTTTAGAAGACC  
TATGTCCTATCCATTAGACAATGGACGCTTTCTTAGACTACTTGGAGGACGTCGAGGACG

>trans\_c\_8901 AF315341|Prunus serrulata var. quelpaertensis PSII D1 protein (psbA) gene,  
complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

GTTTCCGTAAAGTAGAGATCCAGAAACAGGTTACGAATACCATCAATATCTACTGGAGGAGCAGCAATGAA  
GGCAATAATAAATACAGAAGTTGCGGTCGAAAGTGTGCCAGTTTCTGACACCTCTAGCT

>trans\_c\_8902 Novel Gene

GATGCGGATTGAGACAGAAGATTTTGGAGATGTTACTCTCTCATCTATTCTAAACAAATATTCTGTATGACTCC  
GTTGACTTGATGTGAGTTGTGTGTTGATTGGTGTAGAGTTTCTGCGTGTTGTGT

>trans\_c\_8903 FJ708776|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

AATTCTAATCAGTGTTGCTAAGGCTGTCCACTTCCTGCATACTGGAGTTATTCCGGGTTTCTTCGACAACCGAC  
TAAAGATCAACAATATCTTGATTGATGAGCATAATGTGGCAAAGCCTCTGTATTATCT

>trans\_c\_8904 AB105067|Marchantia polymorpha shortMpAN mRNA for short C-terminal binding  
protein, complete cds

CGTACTATCAAGAGGATTAGCTGCCAAAGGATAGATAGGTCGTCATCTAGGAAATCTAAGTTGGAGTGTCGC  
ATCGTGTTAGAGGCTACCAACAGGAGGTGCCGCAGGGTCATATGAAGAGAATTTTGGGT

>trans\_c\_8905 AF370605|Arabidopsis thaliana axi 1 protein-like protein (At2g44500; F411.31)  
mRNA, complete cds

TCACGTCTCGCCGAGTTGGATTGGTTCGCGTTACCTCAGGAAGGTGAGGATGATCAAACGAATATTGTTGTTT  
GTTCTTTAAGCTGTCATGGCTTCTCTTTAAAGCTTACTTCTACCCCGGGCAACCAATGG

>trans\_c\_8906 Novel Gene

CAGATCGTTTCCAGTGGGTTTTGCGTTATTCTCTGAAGCTCAAAAACATTTAGCTTTCATACTCAGTGTCCCTGA  
ATTGAAATGTTAGGCTTTGAAGGTCCTGGAAGTCTAGTGATGAAATTAGAGAGAGCCCC

>trans\_c\_8907 M37248|A.thaliana 12S storage protein CRA1 gene, exons 1-4

AGAACATATGTATATAGTTATCTAGATATAATCCTTTCTTTCCATCTCTAACAACTCCATTCGTCTTCTTCTTC  
CACTGTGGGTCCTTCTTGAGCAGTTGTGATCTCCCTCTGTGTCTCAAGAGCACTCT

>trans\_c\_8908 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

CATATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGACCGGTAGACTTGAACAAGGTTCCCACTTTGGCCTAAGTTTGATCTG  
TTTTACCGAGAAGGTCTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCAATTTTTATTAGATGG

>trans\_c\_8909 U09988|Glycine max Williams 82 mitochondrion NADH dehydrogenase subunit I  
(nad1) gene, exons D and E, partial cds, and maturase-related protein (mat-r) gene, complete cds

TTTTTGGGGGAGTATGCCAATATGATCTTAATGAGTGGTCTATGCACATTGCTCTTTCTAGGAGGTTGGCTGC  
CTATCCTAGATCTTCCATTTTCGAGAAGATCCCTTTAGATCGAGTTGGATCATCTGG

>trans\_c\_8910 NM\_117759|Arabidopsis thaliana catalytic (AT4G16580) mRNA, complete cds

TAGCTCTGGACAGGTTTTCTCAGTCCCTGTTGCTCCTGGAGATGTCATAATTGCTGGCACCGATGGACTCTTTG  
ATAACTTGTAACAATGAGATCACTGCAGTGGTGTGGACGTAACACTCTCGCCCGTT

>trans\_c\_8911 EF397610|Lilium longiflorum plasma membrane H<sup>+</sup>-ATPase LilHA2 mRNA, complete  
cds

AATGTCATTTTGCAGTCGGATGTGGAAGTGAAGACCTTTCTCGTTCTCCTCAAGCTTCAGTGGATTGGGGA  
TGACAATACCGAGGATGATGGATTTTTTCTGTTGATTCTGGAGGTGACAGGGATTGT

>trans\_c\_8912 EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta' subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

AAGTGAATATTTGCGACAAGAAATGAATCCTAATTTTAGGATGACTGACCCTTTTAATCCAGTCCATATAATGT  
CTTTTTCGGGAGCTCGAGGAAATGCATCTCAAGTACACCACGGCTGCTTGCGTCTCTT

>trans\_c\_8913 XM\_001701844|Chlamydomonas reinhardtii DNA repair glycosylase  
(CHLREDRAFT\_141355) mRNA, partial cds

CGGCGCTGGCGGAGGAGCCCGCGGCAGTGGAGTTCATTTGAGTAATAGAATCTCTTTGGAAACAGAGAATAG  
TAGGAATGGATGTTCTTCTGCGGTTACTTGCCATGGGCACAAGAGATGGCCACCACAATG

>trans\_c\_8914 X68913|Chloroplast C.moewusii rrnL gene, exon 1

AGGGCGATTGAGTCGCGTGTCTGGACCCGAAGCGGAGTGATCTACCCATGGCCAGGGTGAAGCGGCGGTA  
AGACGCCGTGGAGGCCCGAACCCACTTAGGTTGAAGACTGAGGGGATGAGAGTGTCCATCC

>trans\_c\_8915 X69731|C.laevigatus chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-biphosphate-carboxylase and promoter region

GCCGTCGGCCACTTTCACTGATGGTGAATAAAATACTATGGTCTAATAACGAACCATTCTGATTAGTTGATAAT  
ATTAGTTGAGAATTTTGTGAAAGGATTCTATTTTCCAAAGTAATTGATGACCGGAC

>trans\_c\_8916 AB052228|Cucumis melo var. reticulatus Cm-ETR1 mRNA for ethylene receptor, complete cds

CATGCGATTATTGCCCTCTCTTCATTATTACAAGAGACTGAACTTACACCAGAGCAACGTCTGATGGTTGAAAC  
AATATTA AAAAGCAGTAACCTTTAGCTACTCTAATCAATGATGTTCTTGATCTCTCT

>trans\_c\_8917 EU908574|Solanum lycopersicum glucan water dikinase (GWD) mRNA, complete cds

CAGGAATTAACCAGGGGTGCTACCCTACAAGATCTCAGAGCTAGACTGACCAAAGGAAACGATGGGAGTGAA  
ACAATGGAGCTATCCACTCTAAAGACAAGACGATTCTGATGAACTTGTCTAGGGGTA

>trans\_c\_8918 GQ229390|Arabidopsis thaliana extra-large GTP-binding protein 3 (XLG3) mRNA, complete cds

GGGAAGAATGCGTCCAAATCTCCAGTGGCAATGATATCGAGGAGCCAATCGGAAAAATGTTTCAACCTTGGG  
TTGATGGAATATATGCTTTCCTAGCTTCCTTCTCTCCATCAGTTTCAAGAGCTTGATCC

>trans\_c\_8919 NM\_115650|Arabidopsis thaliana C2 domain-containing protein (AT3G57880) mRNA, complete cds

CCAGAACAGGACAATCAATCCATTGTGGAATGAGGATTTGATGTTTGTAGCAGCTGAACCATTTGAAGAGCCT  
TTGATTTTAAGTGTGGAAGACCGAGTTGCGCCAAATAATAGCAGCCAGCACCTATGTG

>trans\_c\_8920 NM\_001069057|Oryza sativa Japonica Group Os08g0562700 (Os08g0562700) mRNA, complete cds

CACCTCGCAGTGCTAAAAGCCCCAAAGATGGAAGTGGCCGCTCAGGTATATCCGAGAAGACAACTCTTCTTC  
TTTCTTAGTCAGCCTGAGGACTGTGGAGAAGACTGGCTGATTATCTCCAGATATAGACC

>trans\_c\_8921 AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

AAATAGGCACTTATAATAAGTACATGTTTCGAGCATGATTGACCAACTCCTTGAAAACCTGTGGGTCCCCTAAAA  
CCAACAAGGGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGCCTTTCGGCA

>trans\_c\_8922 Novel Gene

CTAGACAAGAAATAAAGAACATAACCAATACAGGGAACAAGGGAATACCGAACCATATCTACGTGGTACCCA  
TGGCAAAGCCACTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCGCAATGCTTTGTTTAATTAAC

>trans\_c\_8923 CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

GACCGGGATCCCGCTGAGGTCTTATGACCGGATACATCCAAATAGAGACGAGCAGCCTGGTTTGTCAACAGG  
TTTCTGAAGATGTGGTACAAAAGGGGTGGCACTGCGTTAGCACTAATGCACCGGATCCC

>trans\_c\_8924 AM919432|Euastrum affine chloroplast partial 23S rRNA gene, strain SVCK 185

TTCCTAATCTAATTGGGCTCTTTCCGTTTCGCTCGCCGCTACTCAGGAAATCGAGGTTTCTTTCTTCTCCTCCAG  
GTACTGAGATGTTTCAGTTCCCCGGGTCTGCTCCCTATACCCTATGTATTGAGGTAT

>trans\_c\_8925 X79794|N.tabacum mRNA pNLA-35

AAATCTAAGCCAGAAGGATTTGCAGTTGATAGCTTCTTCTGTTCTTTTAGCAGCTCTTGCAAGTGTCCCCCTACG  
ACTCTAAGCATGGTGCTTCTCATTTAGAAGTTGAACACGAGAAAGAGCGGAGGGGTCC

>trans\_c\_8926 XM\_002884952|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNA binding protein, mRNA

TTAAGTTGAATCCAATATTGAATAATAAGATATCGACACTATTTAGACCTAGTGAGAGTAAAAGAATAAGAAT  
GAAAAAAGGAAACTTGCTGGGAGAAGCTCAGGGGGTGTGTATAGAATTGTGGGTATGAA

>trans\_c\_8927 AY110165|Zea mays CL20454\_1 mRNA sequence

CATAACTATGAGGACTTTCCACAAGATAAAAGAGCATCGAGCGCAAATATGGCCTATTTGTTTAGAACCAA  
AAGCAAAGGGAACTACTCTGGCCTTCTCCCCATGTACAGTAACGCTCGCTTGGGAT

>trans\_c\_8928 Novel Gene

ACCCGCGTTTGTGGAAGTTCTCCGGGGTCGCAAATAGCCCGATTCATTTCCAGACATGTTATTGACCCTATCA  
AATGAACAAGATAGATTCTTATTAAGTCTTCTGGTTTATCTCGATGAAATGGGAGGA

>trans\_c\_8929 AB517644|Dianthus caryophyllus DcGRAS1 gene for GRAS family transcription  
factor, complete cds

AGGGGAGGGATCGAGAAGAGCGCCATGAGCTCTTTGGCAAGTGGAATCGAGGTTGACAATGGCAGGGTTC  
CGCCAGTCCCCATTGAGCTCTTACGTCAACTCTGTCTAATCTCTGAGTAGACTCATCCGCC

>trans\_c\_8930 XM\_002894211|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat-intolerant 1 (HIT1), mRNA

ATCACTAAAATTCCAGCATCTACACGACGTATCTCATTATGGATCTTTGCATAAGTGGCTCCACACCAGATAA  
AGATGCCTCTGTGGGGAACATCTGATTAATGTATTCCAAGCGCTTGACTTATCCATC

>trans\_c\_8931 FJ711706|Solanum lycopersicum mercaptopyruvate sulfurtransferase-like protein  
(MST1) mRNA, complete cds

GGTGCCCTTTTCTTCGATGTAGATGGAGTATCTGACCGAACTTCAAAGTTACCACATATGTTGCCATCAGAGGA  
AGCTTTCGCTGCTGTTGTCTCTGCCCTTGGCATTAGCAACAACGATGGTGTGGTTGTT

>trans\_c\_8932 NM\_001070510|Oryza sativa Japonica Group Os09g0569100 (Os09g0569100)  
mRNA, complete cds

ACTTTCGGCTGCAGACTTGGTGGTGAGGCGTCTTGATGAGCTGACAGTCGTCGATTTGAAGAATCTTGCAAGT  
ATCGAGTCCTCTGAATTTGGTCCTGGAGAGCCGGAGATGGAGGTGGAGGAAGATGATGA

>trans\_c\_8933 GQ421587|Ignatius tetrasporus strain 2012 glyceraldehyde-3-phosphate  
dehydrogenase (GapA) mRNA, partial cds

GATTCTTCGAACTCCGGCTGTGGAGCAGCTCAAGCCAAATGCTAATGGCACTCCAAAGAAGAACCAAAGAGG  
TAACACCAGTAAGGCACTGGCTTCACTGAAAGCTGATTTGCTTCCTTCTCCTGATGCCCC

>trans\_c\_8934 EU637016|Brassica napus MPBQ methyltransferase (APG1) gene, complete cds

ACCATTTTGGACCAATCCTTTTCAATTGGACGTCCTTAAATCCAGCATTTTGAACCACTGAATATACTCCTCTTC  
CTTTGGGAAAAGCATCCACACATCTGCAAAGAAGCGAGACAACCAAATGTTGGGT

>trans\_c\_8935 AB182927|Citrus lanatus mRNA for translationally controlled tumor protein,  
partial cds

GCCTCCACCCCAGGGTTCTACTCCGTAGGACACATAGCATTATTAGTTTCTACTATATTTGCCTTTTTCTCATGA  
CATTTGAATTTGGATGGTTTGGGCTGTTTTGGGGTTTTTAAAAACCCAAAAAGGT

>trans\_c\_8936 AM689880|Phragmites australis partial mRNA for phosphoenolpyruvate carboxylase  
(ppc-B2 gene)

AGTGTAATGCGATGAGAGGACGGAGAAGGTTAAGTCAGCCTGGCGTTGGTTGTCCAGGTGGAAGGCTGTAG  
GCATGCATCTTAGGCAAATCCGGGGTGCTCTATGCTGAGAGCTGATAGCAATAGCTAAATG

>trans\_c\_8937 FN563082|Pseudoscourfieldia marina plastid partial 23S rRNA gene, strain SCCAP K-  
0017

TTGGCCTTTCACCCCTAGCCACACGTCATCCAAGACCTTTCAACGGGCACTGGTTCGGACCTCCAGTGGGTGT  
TACCCACCTTCATCCTGCACATGGCTAGATCACTCGGTTTCGGGTCTAGAGCCACGA

>trans\_c\_8938 XM\_002863257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ORF64c, mRNA

CTACCTGAGACTGTCCCTTGGCCCGTAGGTCCTGACACAAGGTTAGAATTCTAGCTCTTCCAGAGTGGTATCTC  
ACTGATGGCTCGGGCCCCCCCCGGAAGGGGGCCTTCTCGCCTTCCACCTAAGCTGCGC

>trans\_c\_8939 AY347715|Juglans regia plasma membrane H<sup>+</sup>-ATPase (AHA1) mRNA, complete cds

GTTGACACCACTAACCAAGTGGGACACTTCCAAAAGGTCTTGACAGCGATAGGGAATTTCTGCATATGTTCCA  
TTGCTTTGGGAATGGTAATAGAGATCATTGTAATGTACCCATAAGTAAGTGCTCTGCGC

>trans\_c\_8940 CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

AGGGACGGAGGATCCTCTCCCGTTTCGGCGTTTCTGTGTGTCAGGTCCAGCGGTCGGTTCAATGTGCTCGCGC  
GTGAGGGGGCGAGTAACACGGTTTCGGACACCAACCCCTGTGTCTTTATTCCAACACCG

>trans\_c\_8941 NM\_127470|Arabidopsis thaliana S-locus lectin protein kinase family protein  
(AT2G19130) mRNA, complete cds

CCGAGGCTGGTCAAGCAACTTTGTCACTGCAACTTTACTCGCAAACAACATACAAGGCGAAATTCAGCGATTT  
CTGAATTGGAGATAAAGTTAAGCTTTGAGATTTACGTTTCTCAGACCCTTTTCCCC

>trans\_c\_8942 NM\_100014|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein  
(AT1G01320) mRNA, complete cds



CAAGCTTTCAGAAAAGCTCTCGCATGTGCAATCACTTTGCATACATGAGATGATAGTACGGGCTTTTAAGCATA  
TTCTTCGGGCTGTCATAGCTGCTGTTGACATTGATACCCGTGCTGTGGACGTTCAACA

>trans\_c\_8943 Novel Gene

CGTCGTCGGCTACGACCGGTATAGTTTCAATCTACTTTACTCTTTCAGATCAAGACTAAGATTAATAGAATAAC  
TGACCTACATTAATTACACCCCTTAATATTTAAGGCTTCCGGTCGGCGTGCGTTTT

>trans\_c\_8944 NM\_125496|Arabidopsis thaliana GR-RBP3 (glycine-rich RNA-binding protein 3); ATP  
binding / RNA binding (GR-RBP3) mRNA, complete cds

AGACATTAATCTGGATGAAGGTCCTGTCCATCCAATGCCTGGATGGCACTAGAGGCCTCCTCACTAGAGGTGT  
AAGTCACAAATCCGAATCCTCTGGATCTCCAGTTTCACGGTCTACGATGACCCTAGCT

>trans\_c\_8945 AM116756|Coffea arabica mRNA for alpha galactosidase precursor (gal2 gene)

ACTACAATCGGTACCGGAGTGTTCCCCGCTGTACGCCGACGGATGACCGTCCTTCCGATACTGGGACAAAGTG  
GTCACATCCAGAAACACCACCGGCTTCTTAATCCTCCTCAGAACCTTATTAACAACCA

>trans\_c\_8946 XM\_002302133|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

AGGGTTCAGCTCCTATTAACCTGTCTGATCGTCTACACCAAGTTCTTCGTTGGGCTCTTGGGTCGGTTGAAATT  
CTGTTGAGTAGGCATTGTCCACGCGTTGCATTAGCGTTTCGTGTTGGGTCCTGTTAGG

>trans\_c\_8947 AB097116|Brassica rapa SRK-60, SLG-60 genes for S receptor kinase, S-locus  
glycoprotein, partial cds

GAAAGTTAGATGGAAAGTGTTGATAGTTTGCATTTTAGGGATCAAGAAGTTTAGGTTGTGATTAATGTATACC  
TCACTTTGTTGTGTTTATGGATTAGTTTTAATAGCAACAGAGGGAACGGTCGGGTCGT

>trans\_c\_8948 EU794382|Angiosperm environmental sample isolate TTGE gel band 2-J 16S  
ribosomal RNA gene, partial sequence

TGTTCTTCGGAATGACTGGGCGTAAAGGGCACGTAGGCGGTGCCGATTGGTCCCTGGACCTGATAACCCCCA  
GTTGTTCCAGATCCCAAACGGACAGGTCTGTCTCACTCTAGAGACAAGAGGAGATGTC

>trans\_c\_8949 NM\_101146|Arabidopsis thaliana protein binding / ubiquitin-protein ligase/ zinc ion  
binding (AT1G12760) mRNA, complete cds

AATCGGTCGTTGGACGATACGCATTCGGGTCGGAGATTTGTGCAGAGGCAGAGTTTTCGTCAGGCGGCGAG  
GTTTCTTAGGCAAGCTAGTAGTCGGAGGACGATGCGTGAGCCGTCTATGCCAACGGAGAA

>trans\_c\_8950 XM\_002302536|Populus trichocarpa potassium efflux antiporter, mRNA

CTGCCAACACACTACTTGTCACTTCTGGGAACTAGTCTACTTACTGCCAGGGCTGGACTATCAATGGCGCTGGGT  
GCTTTTCTAGCAGGTTTACTTCTAGCAGAGGTGAGGCCTCTTCCTACTTGTGAAGAG

>trans\_c\_8951 FJ943650|Populus tremula x Populus alba carbamoyl-phosphate synthase (CPS)  
mRNA, partial cds

TTCCACATGGGCGGCATCGGAGACCTTAAAGTTGAAGCCAGATGGGGTTCTCTTCAGCAACGGTCCCGGCGA  
TCCATCAGCAGTTCCTTATGCTGTTGAAACAGTCAAACAACCTACTTGTCCCTTGCAAAC

>trans\_c\_8952 NM\_123267|Arabidopsis thaliana transferase/ transferase, transferring acyl groups  
other than amino-acyl groups (AT5G39050) mRNA, complete cds

AGGACACTTATGTTGAGGCTGAAACTGTGACAGATGAAAAGACATTGGCACCTAGAGACAACACTGGCCAAC  
CAAGTGAGGGGAAACTCCAGAAAGAAGAACAACCAATCGAGGTGGTTGCTGAAAAAGGG

>trans\_c\_8953 AF297712|Prunus avium translation elongation factor 1-gamma mRNA, complete  
cds

AGCTCGGCGTTTACGCCCAGGCAATGGATTGAGTTTGCATCATTGGAGGTAGATTCTAATATTCTGACTTGGTT  
TAGACCTAGAATGGGGAGAGCTGCTTATCTTCCTCTGTTGAGAGGAGACCTTAAAT

>trans\_c\_8954 EU009396|Glycine max lipoxxygenase-9 (LOX9) gene, partial cds

GATACTTTTAGCTCATGATTCTCGGGCTTTTTTAACTATGATTCCTTTTTCTAAAAATTCGACTTTTACAGTT  
TTCGATTTTTCACCAACAACCTGTTTATCCCATACATATATCTAGTCACAAGTTAT

>trans\_c\_8955 NM\_116251|Arabidopsis thaliana fringe-related protein (AT4G00300) mRNA,  
complete cds

TAAATGGGATTGAGATCATGAAGTTGAATAACTCTTTGGGTAGCTTTGTTGGTAACCTTTCTACTGAGATGATT  
TTGAAGAGATGTCAAGGAAACACTATTAATTTAGTTCCTTATATAGTGATTGGTGTG

>trans\_c\_8956 XM\_002887736|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CYP79C1, mRNA

CCTGGCTCGAACCAACTGTCATTGCCGAACAATCTCTCCTTCTCCCTGTATCAAGTTTCCAGACTCTTTCCCCC  
ATTTGATGATCCCAAGTCACCTTCAAGGGAGGCGCAGGAACCTGAGAAAAATTC

>trans\_c\_8957 XM\_002336761|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

AGGTTATGTTGCGATTGCAGCTGTATCCATAGCCACATTGCCGCATATCTTTTCGCAGCTGAAGTGGTATTATA  
TACTTGTCATCTACGTGATTGCACCAGTACTAGCTTTCTGCAATGCTTATGGTACAC

>trans\_c\_8958 Novel Gene

ACAGCCTACCTAAGGGACACAAAACCTGTGGGATGCAAATGGGTGTTCTCTCTCAAATACAAAGCAGATGGTA  
CGCTTGATAGACACAAGGCAAGGTTAGTTGCAAAGGGATTTACTCAAACCTATGGTGTT

>trans\_c\_8959 NM\_001123987|Arabidopsis thaliana TOR (TARGET OF RAPAMYCIN); 1-  
phosphatidylinositol-3-kinase/ protein binding (TOR) mRNA, complete cds

CGCAACCAACTAAGCTTGCCAGGGTCGCATGGAGAAGTAACACGTGCAGCAAGTGATTCTGGTCAACATATTC  
AATCCGTAGATGAACTTCCTATGGAGCTGTGGCCCTCGTTTGCGACATCTGTCCTAAT

>trans\_c\_8960 EF653105|Platanus x acerifolia isolate F2T.9 NBS-containing resistance-like protein  
gene, partial cds

AAAACCAAACCCCAATGCAAGTTCAGCAGAGGAGTTCAAATGGGTCTGAATCAAGCACAACTCAAGAGAAGG  
CCAATGGGTCTGGTACATCATTCGCAACCGTCGATGGGGGATTCGTCACCAACATGGCTT

>trans\_c\_8961 Novel Gene

AACAACAGCAGCAGCAACAACAGCAGCAACAGCATCAACAGCAACAGCAGCCACAGCAACAGCAACAGCAG  
ACTCAGCAGCAACAACAACAGCGAAGAGATGGAGCCCAACTCTTGAAAGCTCTTTCTTTC

>trans\_c\_8962 XM\_001699926|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GAAAGAATGATTCCATTTCACTCGAAAATTCACAGATATCTGCAGGCCCAACAGCTCAGCAACGGCAAAGA  
GCAATCCAGGTGACCCGTCCAATAAGTTCTTCGTCCATCCTTTCTATGTGCTTTACAA

>trans\_c\_8963 NM\_001189189|Oryza sativa Japonica Group Os10g0369500 (Os10g0369500)  
mRNA, complete cds

ATTTGTTATAATTCTTTGTTGTCCGCATCAGGCAAATCAAAAAAGCGGCCCTCTGACAGGAGGTTGGCTGGAA  
GGCCCTGCCGCGCTTCTCGGCTCGGAGCTTCTGGCCCCCCCCAATACCCCGTAGG

>trans\_c\_8964 GQ131539|Nicotiana glutinosa cell division control protein (CDC48) mRNA,  
complete cds

GGGCGTCTTGAGGTTCTTCCAAACAGCATTGATCCAGCTTTGAGACGATTTGGAAGGTTTGATAGGGAAATAG  
ATATTGGGGTTCCTGATGAAGTTGGGCGTCTTGAGGTTCTTCGTAGAACGTGGTTCCC

>trans\_c\_8965 Novel Gene

TGCACAGAGTGAGAGAGAAAGAGAGACACACAGAGAGAGATTTCGGATAAGTTCAACATGGGAAGGCCTCGT  
TCATGCTTCCAAGTAATCACATGTGGTGGCGATTCAAAGGATGGAGATGAGATTAGCACG

>trans\_c\_8966 XM\_003078644|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot04g01740) mRNA,  
complete cds

CGGTTATGAGTACGACCGGGAATGTTTCGTCATCACTCTCAAATCCCGTAGAGGGCGGACACGAAATCGGTC  
GATAAACCCAAAAGGACGTGCTAAGAGAGCAAAAGACGATGAAATAATATCGCACAAAGT

>trans\_c\_8967 NM\_001058308|Oryza sativa Japonica Group Os03g0827700 (Os03g0827700)  
mRNA, partial cds

TTAGCTAATAGCATAACATCAGAAGCATTGCATGGAGATATATCACAGCATCAACGGGAAAGAACATTAAATG  
GCTTTCGGCAGGGGAAGTTCACTGTGCTGGTTGCAACTGATGTAGCTTCACGAGTCAC

>trans\_c\_8968 NM\_001058828|Oryza sativa Japonica Group Os04g0234600 (Os04g0234600)  
mRNA, complete cds

TGCATGGGAGAAGCTTTGAGGACCATTTCTTCAAAGTCAGGACGGCTTCTTGTGGAGGAACTGCATGTGTCA  
ACTCCTTTGGAGATGAACAACTTGCTGTGATATGCTTGCTGACAAGCTGAGCGTCGA

>trans\_c\_8969 Y11591|R.communis mRNA for shaggy-like kinase, partial

ACCCTGTAACCTCTCCCGTAGCTCATCAAAGAAAGGATGAGCACATGCTTCTAGAGCTGTGCAACGAAGACTT  
GGAGAATATTGAAGCAGACGTGAAGCAAGATCAATAGCTTCAGGAGGCATTGCTTGT

>trans\_c\_8970 Novel Gene

AGACAGACTGAGCATCTAAACGGAGAGTTGGCCGTCGATTCCCTCACTTGGCTCTTCCATTTCATTTCTTTTC  
TCTTCTTACTTCCTCAAGTATCTATAAACGATGGCTGATATCAGAAGCGCTTGAT

>trans\_c\_8971 NM\_129647|Arabidopsis thaliana DPE2 (DISPROPORTIONATING ENZYME 2); 4-  
alpha-glucanotransferase/ heteroglycan binding (DPE2) mRNA, complete cds

CCAACATACAACCTGGGAGGAGATGTCAAAAGATAACTATGCTTGGTGGCGTGCTCGTTTAACTCAGATGTCAA  
ACTACTTCACAGCTTACAGAATTGATCATATATTGGGTTTCTTCCGATCCCAAAGATC

>trans\_c\_8972 AF022457|Glycine max cytochrome P450 monooxygenase CYP97B2p (CYP97B2)  
mRNA, complete cds

TGGAGAAGGTGAACTACAGGAGGCTAAAACCATTTGAGTTGGATATGGAAGCAGAGTTTTCTAGTTTGGCTCT  
TGATATCATTGGACTCGGTGTTTTCAACTATTCGCCCAACCAGTATACATGAGACGGAG

>trans\_c\_8973 DQ343567|Populus trichocarpa glucose-6-phosphate dehydrogenase (G6PDH2)  
gene, complete cds

CTTAGATGTTCTTTAACCCCTTCCATTTCGAATCTTTTCTTTTATTGTGGTTAGAGATGAGTAGAGGCTAGTAT  
GTGAATCTAATGTAGACATTGTGACAACGAGGATCTAAGAGTTAGAGCTCAGATCG

>trans\_c\_8974 FJ388888|Medicago truncatula plastid carbamoylphosphate synthetase small  
subunit 1 (CPSs1) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

TGGAACCCAAGTTGGTGAAGTGGTTTTCAATACTTCTTTGACTGGGTATCAAGAAATTCTAACAGATCCCAGCT  
ACGCTGGACAGTTTGTGCTGATGACAAATCCCCACGCCACGTTACAGAACACTCACC

>trans\_c\_8975 Novel Gene

TCTCTCCCCTTCTAAAACCAAACTCAACCGCTGAAAAACATCTCTAAAAATTAAACGAATATATAAAATTCAC  
AATCTCACTTGTTACAGTGATTTGTTTGATTCTCGCCACCGGAGTTGCTTTTTC

>trans\_c\_8976 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate  
carboxylase/oxygenase, complete cds

GCGTCTCTTCTCTCTAATACTACGCGTTCCGGGCCTTCTCGTGTGCTCCGAGGTTTTTAGGTGCTTATCGTCCC  
AGTCGTACAGTGTGAAGACGGACGTTGTCAAAGCCAATAACCCTGATGTATGCGTC

>trans\_c\_8977 CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

ACCGGAGTTTTCTCTCTCTTTTATTGCTTGCTGTAATCGGTCTAGCTTTCGGAAGCCGGGACCTTCCTGGCGAT  
TTTCTCCGGTTGCCGTCCGAGGCACTGAACGGGGGGATATTCGTCTCCGAAGCCCC

>trans\_c\_8978 DQ536659|Cucumis melo voucher Unvouchered store-bought mellon maturase K  
(matK) gene, partial cds; chloroplast

TATATATATAGCTCAAAAAAAAAAATGATTCTGGTGATACATTCGAGTAATTAAATGTTTTACCATTAGTAAAC  
CTGGATTTTTGTTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACT

>trans\_c\_8979 GU187328|Nicotiana tabacum photosystem I reaction center subunit (PsaN) mRNA,  
complete cds

GTCCTTCCCTTCACACTCCAATTCCAAATCATCAGTTATAAATGGAACCTTTCTTTGTCCACGTTTCATCTTGGCAC  
CCTGTGAAGTTCTCTGGGAACTTGCATGTTCCAAATAGTTGCCACATACGGGAAG

>trans\_c\_8980 XM\_002311265|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

GGATAGAATTCCAACCTCTGATAGAGTATTGAGGAGATTGAAAGAGGTTTGGAGGAAAGTGGTTTCTTGGGA  
AGTGGATGGATTAAGAATATTATTTGATTCAACTTCTCCAAAGTCAATACTTCACTCT

>trans\_c\_8981 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

TCCTAGTTGAACCGGAGAGAAACAAAATTCATACCGGTGTCATATAATTACTTAGCTGAGTGAGATACCAGAGG  
ATTAGGTACCATATGAGCAGGCCCGGCAAAATCCTTGTATAGCCTCTTCGATTTCTCG

>trans\_c\_8982 XM\_001691617|Chlamydomonas reinhardtii fatty acid desaturase, delta-12  
(CHLREDRAFT\_135825) mRNA, complete cds

CCAAGCCATTTTCTTCTAAGCATTTGCTGAACAAGTCCCGTTCGCTTCTGTTCAAGCTGCAGTTATTTGGGGCC  
CCATTCCCAGTCCTCAGACCAAGGAGCGTTTCAAGCTCAAGGAGGTCTTTGAGGAG

>trans\_c\_8983 FJ708669|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

GCAAACGATAGATATCGACAACAATCCCTTCTCGGCGTGGCAGATTCTGATAACATTCGAGATGCGTCTGGG  
TTACAGGAAATATCGGCCAATCGTGTCAATATAACCGGTACAATCCCTGAAATTTTTG

>trans\_c\_8984 NM\_105147|Arabidopsis thaliana CP5 (CP5) mRNA, complete cds

CTCAGATGGTAAGAGACTTCTTTTGGGATGATGAATTGAGAATGAAATGGGATGACATGCTTATAAGTGCTCA  
AACTTTGGAGGATTGTTCTGCCACAGGAACCATGGCTGTCCGCTGGGTGCGCACAACA

>trans\_c\_8985 AY612640|Chlamydomonas reinhardtii NAR1.4 mRNA, complete cds

ACGCTCGGCACTTGAGTTGCCAGCAACCAAGCACCTACTTTTGAGGGCATAGAGTAATACACAGGTCTTTG  
CGACACAGTTAGCTTATATAACAAGCTTTCTGTTACTGAATCCCTGCGTACGCGCGC

>trans\_c\_8986 XM\_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

GTAGACATACTTGTGAATTTATTGGCAACAGGAGAGCCAAATACACAAGCAAATGTGTGCTTTCTCCTGGCAC  
ATGTGATGATGGAAGATGCGTCTTTTTGTTCCAAGTTTTGGCCACAGAGGCTACGAA

>trans\_c\_8987 Novel Gene

CCCGGGGGGGGCAAATGGTTGAAATTCGCGAGTTCTTTGCGCGTCGTATACCTTAAATTCCTCTACACATCTTA  
GAACCCCGAACATCCGCTACTTTGACTACGTGACGTGAAGACGGACGTTGTCAAAG

>trans\_c\_8988 Novel Gene

GCCTTTCTTTTTTGGATTGGATAGGATTTTCTTGGCTTCGTTGGGAGGCTCGCGTAGTTTGTTACGTCAGCT  
CCAAAAGGATAAGTTGCGTTGGAATTGATTGTCTGTTCTGGGATAACCAACATTTG

>trans\_c\_8989 GQ120439|*Perilla frutescens* cytochrome P450 reductase mRNA, complete cds

ACAGCTTGCTGAGCAGGGTGGAAAGCGTCTTGTACCAGTGGGTCTAGGAGATGATGATCAGTGCATTGAGGA  
TGATTTCTCTGCGTGGCGTGAACACGGCGTTAAGTCTAGTTCGCCTGGCAGGATGATAC

>trans\_c\_8990 Novel Gene

GAAGCAACTTAAAGATCTCTGACAAGTATGAGTTCAACCTCATGATTTTTCTCTGTTTAAATCCGTGGCATT  
TTGAAGATGACTAAACAGTATTCTTTCTTTTCAGATGCGAGCCAAGAATGCAAAA

>trans\_c\_8991 FN563104|*Pyramimonas parkeae* plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 726

GGGTACACTGCATCTTCACAGCGAGTTCAATTTCACTGAGTCTCGGGTGGAGACAGTGCCAGATCGTTACGC  
CTTTCGTGCGGGTCGGAACCTACCCGACAAGGAATTCGCTACCTTAGGACCGTTATT

>trans\_c\_8992 NM\_001065072|*Oryza sativa* Japonica Group Os06g0708700 (Os06g0708700)  
mRNA, complete cds

AAGGGTTGATTGATGTGGTATGGAAATGGAGTCGACATGAGAGGATGTGAGTCAAATCTTTGTCTCTCTTT  
TATTTTCGATTTATTTTATTTTATTGTATGGATAATACCGACTACAACATTTGGGG

>trans\_c\_8993 DQ629324|*Araucaria araucana* large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

CAAGTGAGAACCTTGCCCGCCGTAAGACCAAGGGTTCCTGGGCCAGGCTAGTCCTCCAGGGTAAGTCGGGA  
CCTAAGGCGAGGCCGACAGGCGTAGTCGATGGACAACGGGTGAATATTCCTGTACTACC

>trans\_c\_8994 CP000588|*Ostreococcus lucimarinus* CCE9901 chromosome 8, complete sequence

AAATTATCGGGCATTGAACAGAGCAACCAGTTCAAGCTGGATCAATTGAGTATAGTAGTTCGCTTTGACTGGT  
GAAGTCTTAGCATGTACTGCTCGGAGGTTGGGTTCTGCTCCGAGGTCGCCACGTCTGA

>trans\_c\_8995 XM\_002315262|*Populus trichocarpa* light-harvesting complex I protein Lhca1  
(Lhca1-1), mRNA

CCCAGGAACAGGGCCATTGGAGAACTTGGCAACTCACTGGCTGACCCATGGCACAACAACATTGGCGACAT  
TATCATCCCCAGAACAAATTCGCCTTGAATTTGCGTCAAATCATACCAATTGTATAAT

>trans\_c\_8996 M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate  
carboxylase/oxygenase, complete cds

GCGTCTCTTCTCTCTAATACTACGCGTTCCGGGCTTCTCGTGTGCTCCGAGGTTTTAGGTGCTTATCGTCCC  
AGTCGTACAGTGTGAAGACGGACGTTGTCAAAGCCAATAACCCTGATGTATGCGTC

>trans\_c\_8997 NM\_116702|*Arabidopsis thaliana* ATPC1; enzyme regulator (ATPC1) mRNA,  
complete cds

AGGGTAACTCTTATTTCTTCGCCGACCGTACATTCCAGTCGATAAGTTCCTTGAAGGTGGTACTCTTCCCACA  
GCTAAGAGGATCTGGATGGCGATCAGCAGCACCCCCCTGTCTCCCTGGCTGTCTTCC

>trans\_c\_8998 X73961|C.sativus mRNA for heat shock protein 70 (hsp70)

TGCTCAGATCTTCTTGATAGGCTGAAGACTCCAGTTGAAAACCTTAAGGGATGCTAAACTCTCCTTCAAGGA  
TATTGACGAGGTGATTCTTGTCTGGTGGATCAACCCGTATTCTGCCGTCCAGGAACT

>trans\_c\_8999 GQ998566|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 ribosomal protein S15  
(rps15) gene, complete cds; chloroplast

CTTCACATTTGGAATTGCACAAAAAAGACTATTTATCTCAAAGAGGTCTACGTAAAATTCTCGGAAAACGCCAA  
CGATTACAGATGATTCTGTACTACACGGACGCGGATTCCACCCAAAATGTTTCCAAA

>trans\_c\_9000 Novel Gene

CACAAGTCGAGCCGCTCCATAGACTCTTGACTGTCCATATGAACCTGTGTCCTTAATCTAATGAGACCTGTGTC  
CTTATCAATGAGACATTCAAAGGCGAACTTTCAGTCGCTTCTCTCCTTCTTTATTG

>trans\_c\_9001 Novel Gene

CTCTGCAAAGTTCCGAGTAAACGTCGCACATAAATTCCTAACGATGTTGATGGACGTTCTTTTAAGGATGTTT  
TCCGTTGTGGGTGGTCTCATATTCCGTCGCCTTGTGTCTGTCGCAGCGATACCGGT

>trans\_c\_9002 NM\_128597|Arabidopsis thaliana chloroplast thylakoidal processing peptidase  
(AT2G30440) mRNA, complete cds

CGCCAGGCCTTTGTTACGCCTGGGATCGTATTTTAGCAGAAAAGGTTTCATACTTTTCAGGAAACCTGAAGT  
TTCAGATATAGTGATCTTTAAAGCTCCTCAGGCTCCATGAAGCCCCAAGACCGACC

>trans\_c\_9003 FJ529172|Brassica napus cellulose synthase 3.1 catalytic subunit (CesA3.1) mRNA,  
complete cds

CTTGCAATTAAGATATGATAGGGAAGGAGAACCATCACAGCTTGCTGCTGTTGACATTTTTGTGAGTACTGTTG  
ACCCACTGAAGGAGCCTCCACTTGTCACAGCTAACACCGTACTGTCTATTCTCGCTG

>trans\_c\_9004 Novel Gene

AGTGATAAAGGAGGTAGGGGGATGGATGGAATAGTTTTAAGCCGAGTGTTGCTTCTGATCTTAATAACTGGA  
GTAATACCAGCAATAGTATGAATATGAGTTCAACTGGGTATGAAAAGAATGCACTCAA

>trans\_c\_9005 Novel Gene

AAATATTAATCCATGCTTCTCACACTAAAGTCCATGTCTCCGCGCATATCAATCTATTACTTTATTACTCGCGTCT  
CTGTCTGGTAGAATATGACAATTCGAATCAGGGGCTCGTGCGAGGGAACCCAGT

>trans\_c\_9006 AY242058|Oryza sativa (japonica cultivar-group) MONOCULM 1 (MOC1) gene,  
complete cds

AATGTCTATGGGGTTTGTACCTCGATGAAATCCTTTTTACATTTGACCCTTTAGTACTAAGTTTAACATGCGACT  
GTTCTTATGTGTTTGTGTATTGTGGGAGGTGATATTCAATTCACCAGAGAATTTC

>trans\_c\_9007 GQ998140|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

GAGACCTGTGTTTTGGTAAACAGTCGCCCCGGGCCTGGTCACTGCGACCCCCTAGATGAAGGAGCACCCCTTC  
TCCCGAAGTTACGGGGTCATTTTGCCGAGTTCCTTAGACATGGTTCTCTCAAGCGCC

>trans\_c\_9008 X82776|P.sativum mRNA for ribosomal protein L1

AAAGGAGGTTTCATGGAATTTGATAAGTTGATTGCTTCACCAGATATGATGCCCAAGGTTGCAAGTCTAGGGA  
AACTTCTAGGACCTCGAGAGTCAGCATTAGGCTTGGGGATCAAGTGTCAATGTGTGT

>trans\_c\_9009 X99825|P.crispum mRNA for leucine aminopeptidase

CAAAGTGAATCTCCACTCCGAGAGGCTTGATTTGGCCAATGGCTTTAGCTGCACCAAGAACTGCTGCTGAACC  
TCCCATGTCTAGTTTTTCATGATTTCAATTGAACATCCAGGTCCAGTTTTTAATGTTATA

>trans\_c\_9010 EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA, complete cds

GAAAGAAGCAACAATTGGCTTCTCTTTGTGAAACACTTTCTGGGTCAGCTGGCATGGGTTTTACTCCACATGTT  
ATCACCATTGGAATAGGAGAAGATGTTGCTGCCAAGATCATGTCAATTTTCGCTATT

>trans\_c\_9011 XM\_002873895|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat family protein, mRNA

AGAGACACAAGGATGGTTCTTCTCGAGCTGTAAACAGTGTTATTCGTAGAGCTGCAGATGCCATTACAAATCT  
TGCCCATGAGAACAGTTTCATCAAAACGCGGGTTAGGATGGAAGGTGGGATTCCTCC

>trans\_c\_9012 NM\_122143|Arabidopsis thaliana anac090 (Arabidopsis NAC domain containing protein 90); transcription factor (anac090) mRNA, complete cds

TGGGTTCCATTTCGTTTTCCACATTGTTTTCGTACCTCTAACAGATTCCTCACTCCCCTGTTCTTTGAATTGCCACGG  
CCGTCACCAGCTGCAATGCCGGAACCCCTTTTCATTTGACTGTTTATTCCCA

>trans\_c\_9013 AL161555|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 55

AGGACCGCTCTGCGAAATCGCTGGAGTCGTCTAATTCAATGGCGGTGCGAAACGCACGGACCTTCGAGGGAG  
TGCTATAAGCGAAATGCGAGTCTTTTGCAATCAAAGTCTGTAAATGTGAATGAAACCC

>trans\_c\_9014 AJ506156|Amborella trichopoda chloroplast genomic DNA, complete sequence

GGTTTACGACGAAACCTAGAAATCGATCACTGATCCATAAACTCATGGAGGTGTCCTATCTGGAGTTGTCTTTT  
GACTTCTCATTGCCGTCGTTCACTAACTCAAGTCATCAAGGAGTATATTTATGCGG

>trans\_c\_9015 AJ745182|Rafnia alata chloroplast partial accD gene for acetyl CoA carboxylase and partial psal gene for photosystem I reaction center subunit VIIIIX, specimen voucher Campbell & van Wyk 8 (JRAU)

TAGAGGGTAAGGTGGTGAGAGTTGTCATAGAATGGATACCTCGACTTAATATTTTCATTGTTATATTAATAGTT  
TTACCTGTTATTTATTGATTGTTATAAAAGGTATCTTATAATTATACTAATTCAAT



>trans\_c\_9016 FJ858255|Vitis vinifera cultivar Sauvignon Blanc lipoxygenase (LOXA) mRNA, complete cds

GAAGTTCAGTGGAAAATTGAAGGAACTAGAAGGGATAATTGATGAAAGGAATGCTGACCGAAATCTAAAGA  
ACAGACATGGAGCTGGAGTTGCGCCTTATAGACTTTTGAAGCCTGATAGTCCCGGACCT

>trans\_c\_9017 NM\_117407|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat family protein / extensin family protein (AT4G13340) mRNA, complete cds

AACCGCCGATGGAGGTGGCGGACGAAACCGGCGAGTTCATTTTATTTCCGGCAAGTCAAACCGGAATCTATT  
GTGGTTGATGAAAATGGCGTCCAAATCCTTGTCAAAAAGCTCCTTAGGAACCGTCCC

>trans\_c\_9018 Novel Gene

ATACTACAGACAGGCATTTTCAGAATTTTCTATTGAATGAATGGTATATGATTCTACATCGACAAGCAGCAAGA  
AAAGAAGAAACAAATTATATTATTTAGTTTGTAGTCTTCATTTTTCGGTTCGCGGTG

>trans\_c\_9019 BT015169|Arabidopsis thaliana At2g31560 gene, complete cds

AGGATGAGGATGATTTGATGAGGACCAAGAGCTTGACGGATGAGGATCTTGATGAACTTAAAGGCTGTGTAG  
ATCTAGGCTTTGGTTTTAGCTACGATGAGATTCCGGAGCTCTGTAACACTCTGCCGGC

>trans\_c\_9020 NM\_001048524|Oryza sativa Japonica Group Os01g0142100 (Os01g0142100) mRNA, complete cds

CAGGATACGTTTGGGGATGTATATAAGCTTTTTCTTTTAATTAATCCAGAGGATGATAAACCTGTGGCGGTTGT  
TGTTCCACGAAAGACCTTGCAACCAGATACGACAGCTGTCCCAGAATGGTTTGCTG

>trans\_c\_9021 AY425066|Linum arboreum NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial cds; chloroplast

TAAAAACTTTACATGGGAGAAGCTTTTTCCGATCCAAAATGAAGAAAAAAGAAAAATTGGTAACTCGAAAT  
AAAATTATGAAAGATTTCGTTACAATCAAATATTAATATAGTAATACAATAACCC

>trans\_c\_9022 NM\_100014|Arabidopsis thaliana tetratricopeptide repeat (TPR)-containing protein (AT1G01320) mRNA, complete cds

CTTCCCGCTTAAAGCTGTTTTCGAAGACTCTAAAAGCTGCCTTCCATCTGCGGATGAACATGCTGCTTGCTTAT  
GCACTGGGACCAGGCTTACGACATCTGATTTTTGAAACGGAAATGGAGAGTCCATA

>trans\_c\_9023 NM\_001073688|Oryza sativa Japonica Group Os12g0586300 (Os12g0586300) mRNA, complete cds

CTTCCGATTGAAGCGGCAAGTGAAGCTAGTGTCAGGAAGCAGCAGCAGCGACAGCCGAGAGATTTTATAGTA  
GACAAAGCAGGGAGGAGTCAAACCTTGAGTCACGGACATGCCCTCTCAGACAGCTGT

>trans\_c\_9024 XM\_001700736|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GATATTCAAATTCGATAAGGATTCCCGGCTCCACTGTTTCGAGGGGGGCGGGACGGGGACGCGGGCGGGTTC  
AGAACACACACTTCGAGTGATCGCGGGAATCGGCCGAAGAGGTGGGTGCTCATGGAG

>trans\_c\_9025 tpg|BK000948.1|TPA\_inf: Oryza sativa transposon Rim2-M337, complete sequence

AGAGAGAGAAAGAGATCCAGATGTGGGATGAAATCGAGAAAGAAAAGTCAATGAACAAGGAGGAAAGAGA  
AAATCGATAAAGGAAAGAATCCACTAACAAGAAAAAAGGAAAAAATCCCGAAAGGGGGA

>trans\_c\_9026 Novel Gene

TCTTCTTCTCCTTTTTTGACGGGAAATTTAACAAGCTTCATTCTTTTTCTTTCTCTCCTTCTTTCTTCTCTACCCA  
TTTCGATTCTATATCTCTTTCTTCTTTTTTTTTTCTCTTTAGAACGCGC

>trans\_c\_9027 Novel Gene

AGATCTGCAGTTAAAGGAACAGCAATCCTCCTCCGCTAAACTCGCCTTAAACCAAACCTGGCGGCATCATCAT  
CATCATCATCATCCTCGTTGTTGTTAAATCTGAAACCGGAAATAGGAAGGTGGTCG

>trans\_c\_9028 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds,  
haplotype: S4

TGTAGGAGTTTGAGCGCATCTTTTCATATCGATCAAGCGGGTTTCCTTTCATTTCCGAAAGCCTACTATTCC  
AATCTAAGCTAGAAAGAGGATCTGGATTTGTCTGCAGATGATGATGATGTCCACT

>trans\_c\_9029 AB294693|Hevea brasiliensis HbMVK mRNA for mevalonate kinase, complete cds,  
note: HbEST\_No.06169

TCTCTACACTACAGCTTCAGTTAGATTGCCAAGTTCTTCTGACGAGAATGATATTGTGAAACTCCAAGTGAAGG  
ACCTGGAAGTTGAGTTTTTCATGGCCAGTTAGTAGAGTCAGGGAAGCTTTGGGTGTT

>trans\_c\_9030 EF121304|Nicotiana attenuata calcium-dependent protein kinase 2 mRNA, partial  
cds

AGAGGAAGTTGGTCACCGAAGATGATGTTGAAGATGTGAGAAGGGAAATTCAGATAATGCACCACTTGGCTG  
GACACCCAAATGTTATATCGATCAAGGGTGCTTACAGAATACGCACCATGACCTGAAC

>trans\_c\_9031 Novel Gene

GAAACTCACGGAATTGCAGATAGAAGATGATCAATTATTGCAGTAGTTGAGGCCTTTTCCTTAGCCAGGCTAA  
ACTTACTTGTTGGAGCACATAGAGCTAACGGACAATGGTTGCATCAATTGAAATTGT

>trans\_c\_9032 HM802937|Carica papaya cultivar Solo eukaryotic initiation factor iso4G (eIFiso4G)  
mRNA, complete cds

TACTCTTGAAATATTCGTTTGATTGGAGAGCTTCTAAAGCAAAGAGCAGTGCCTGAGAAGATTGTTACCCAC  
ATTGTCCAGGAAGTTCTAGGACCAGATAACAAAACCTGTCCTGCCGACTCCCCGTCT

>trans\_c\_9033 XM\_001698875|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AACGGCACTTGACATGGTATTAGTGAGCACGCCGTTCCGCCGGAGGGGCGCGGACGCTCTCGCTTTTCACGC  
CGGACACGTTTCGCGTTGCCTGAGATAGTTTAGTAGGGCCGTTGCTCTCCACATTT

>trans\_c\_9034 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CGGTTTTATGAAAGCGTGTGCTATGGCTCGAATCCGTAGTCAATCCTATTTACGATAGGAGCTGTTGACAATT  
GAATACAATTTTGGCCATATAAAAGTAAAAGCGCGAATATTATGTGCGCCTATTTTT

>trans\_c\_9035 Novel Gene

AACAAATTAATTATGCCATTACTAAAGTTGTTTGCCGTTTTTTCTTTAGCTAGTTCTCTGGGGCATCATGTACC  
CTCTTAGTTGACCTTGTAAGACTTGACGTGCTGAAGAGGCCCCCACGCCCTCCAC

>trans\_c\_9036 X15189|Spinach chloroplast Gpb1 mRNA encoding glyceraldehyde-3-phosphate  
dehydrogenase (GAPDH) subunit A (GapA) (EC 1.2.1.13)

GGAGTGTTTGTGGATGGCCCAGGTGCAGGGAAACACATCCAAGCAGGTGCAAAGAAGGTTATCATCACTGCT  
CCTGCAAAAGGTGCTGATATTCCAACATATGTTGTTGGGGTGAATGAAAAAGGCCGTT

>trans\_c\_9037 Novel Gene

AGAATCCCCATCTAAAATCAATCTCTTACTAAACACACAAAAATGAGTTCTAAAGCCTTTGTTTTCTTGGCCTT  
CTTCTCGCCTTCGTTCTTCTCCTCTCGTCTCTCTCGAGAGAGAGAGAGAGAGGAG

>trans\_c\_9038 EU408476|Arachis hypogaea Potyvirus VPg interacting protein (VPgB) mRNA,  
complete cds

GATGGAAATGTCTGGTGCACAACAGAGAGATGAGATTTTTATGTTGCAAAGCTAGTTCAGCGTAGAACTGAT  
TTAACTGCAAAGACATTGATTAGAGCTCATAGGATGGTGTGGTTAGGTAGGGAACCTG

>trans\_c\_9039 NM\_001074028|Oryza sativa Japonica Group Os11g0213600 (Os11g0213600)  
mRNA, complete cds

AAAGGGCTTCAAGTTCAATATCAAGGGAGTTGCTATTGGGAACCCATTACTTAATCTAGACAGAGATGCACAA  
GCAACCTACGAATTCCTTTGGTCTCACGGAATGATTCTGATGAAGTTTGGCTTGCA

>trans\_c\_9040 Novel Gene

AGCTATCAAAGCTATGCTTGTCAATCGAGTAGGTGATTTTGGATTAGCTCTTGGGATTTTGGGTTGTTTTACTC  
TCTTCAAACAGTAGACTTTTCCACCATTTTGTCTGTGCTAGTGTCCCCAGAAAT

>trans\_c\_9041 DQ229842|Helianthus annuus cultivar LG24 MPBQ/MSBQ methyltransferase 2 (MT-  
2) gene, complete cds

AACCCATCAATACCCACAAAATAACTTGAAAAACCATCGTCAAAATCCTCGCCAGAATGGCCCTTGACGACG  
ACCCACAAGTTTTCTTGTCAAACCTTCAACTCCAGGTCACAGTGCGAAGAAATCC

>trans\_c\_9042 DQ058762|Lycopersicon esculentum ASR4 (Asr4) mRNA, complete cds

AAAGCATGGACACAGGCACAAGCTAGAGGAGGAGATAGCGGCGGTGGCTGCGGTGCGGAGCGGGTGGCTTT  
GCATTTTCATGAGCACCATGATAAGGAAGAGGCAAAAGAGGAAGATCTTCTCCGAGTACCT

>trans\_c\_9043 EU599037|Solanum tuberosum starch-granule-bound R1 protein (R1) mRNA,  
complete cds

AATGTGAAACCACGTGAAATCAGTAAAGCACAAAGACAGACTCACAGATTTGTTAGAGAATATCTATGCAAGCC  
ATCCACAATATAGGGAGCTTTTACGGATGATTATGTCTACTGTACCTGTCCCACCAC

>trans\_c\_9044 XM\_002884875|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata methyladenine glycosylase family  
protein, mRNA

TGATTCTAAAATTAACCCCTCTGTTGAAGATAGAAGATGTAGCTTCATCACTCCGAATTCAGATCCCATTATGT  
TGCTTACCAAGTAAGTTAAACTACTTCGTAAGCGCGAACCTAACGCGTGGGCTA

>trans\_c\_9045 DQ308532|Triticum monococcum UCD DV92 carbamoylphosphate synthase large  
subunit-like gene, partial sequence

CTTGGAACCTCTCAAAAGGAAGGACAGCTTCCTTCACAGACACGTGTTTGGGGATGACCTCCTTGGTGAAGCC  
AAGCTCATATAGAGACTTCCCGGACATAACAAGCGAAGCATACTTAGCCAATGGATG

>trans\_c\_9046 FN563093|Crustomastix stigmatica plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 2493

ATACACTCTGAAGTGAAACATCTTCGGGTTGTGAGGTTAAGCGACTAAGCGTACACGGTGGATGCCCTGGCA  
GTCAGAGGGCGATGAAGGACGTGCTAATCTGCGAGCCTATGATTGCCTTGTCGCGTCCG

>trans\_c\_9047 XM\_002890762|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata plant U-box17 (PUB17), mRNA

AGGTTGAGCTTTTGCAGAAGCAGTTGAGAAGGACTAGACTGTTTGTGATGAACGTGATGAGGTTTTGAGGA  
CTTGTTTCCTTCGTTTCTTGATGAGTTTGAGAACGGGAGGCTTCCTAATCCTAGGGA

>trans\_c\_9048 Novel Gene

AATTCGGTCGATCTGGAATGGATTGGTTAAACATTTTATTAGGGAGCCTGGTCTTGACTCTTCTGTGTGGTATT  
CATTCTGTTTGGCTCTTGGAATCACATCCAGCCACGTTGGGGTGTATTGTGGGG

>trans\_c\_9049 CP001331|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13, complete sequence

AAGTCTGAGGCGCAAACAACAGCGCGCTGAAGCAACTACTGGAATTGCCCTGTGTGATTGACATGCTGCTTGC  
TCTGGAAAAGATACAATCGTCACCGTCCCATAAACTGCTCTTGGTCACCTCTGACTA

>trans\_c\_9050 NM\_115045|Arabidopsis thaliana CAX3 (CATION EXCHANGER 3); calcium:cation  
antiporter/ calcium:hydrogen antiporter/ cation:cation antiporter (CAX3) mRNA, complete cds

TCCTCAGCTTCAAATAGTTGTCGATGAGTCCAGAGTTGAAAGACCAAGTAAGCAATGTAAGCAGAGAGCATC  
ACAAATGCTGCTAGCTCTGGACAGATGGAGGGTCGAGGCGGCGCCGTGGAGGCGGAGG

>trans\_c\_9051 AF227620|Euphorbia esula 60S ribosomal protein L10 mRNA, complete cds

AGTTCGCTGCAAGGACAACAACGGACAGAATGCACAGGAGGCTCTCCGGCGTGCTAAGTTCAAGTTTCCTGG  
CCGTGAGAAGATCATTGTGAGCAGGAAGTGCGGGTTTCACGAACGGACATTAGATCAGT

>trans\_c\_9052 NM\_116702|Arabidopsis thaliana ATPC1; enzyme regulator (ATPC1) mRNA,  
complete cds

ATTGGGACTTACGAGATCTGAGAAGCTGTTGTTAATGGAAGACCATTCTCTGAAGCCTTAGTTGAAGTCCTTTA  
CAACATCAATGAGCAACTTCAAACAGAAGATGTTGATGTTTCCTTTAACCAAAGTAA

>trans\_c\_9053 AJ414385|Pisum sativum mitochondrion cox2 gene for cytochrome oxidase subunit  
II

AGTTTGTGGGAAAGCCTCAAGACGCAGCAACACCTATGATGCAAGGAATAATAGACTTACATCACGATATCTT  
TTTCTTCCTCATTCTGATTTTTGGGGGATGCGACGTTCTCTTGGTTCGCGCTTTATT

>trans\_c\_9054 AY105100|Zea mays PCO148197 mRNA sequence

CTTCCGCGGTGTTGGTGTGATTCTGTTTGAGCAACAGATCCTGACGTAATATATCTTCGTAATGAAACTGGAGT  
TGTTGGCTCGGACCCATTCTAAGGGGAAAGAGGGCCCCAAGAGGCGATACCCCCG

>trans\_c\_9055 NM\_001071028|Oryza sativa Japonica Group Os10g0387000 (Os10g0387000)  
mRNA, complete cds

CGGAGATGATCCATGCCTACTTCCAGATGGAAGTATGCTTATGCCTTAGCTAAGAAAGCTGGTCGATACAAG  
CAGATCAAGCGTACTGAAGGAGTCTCCAGCACCGATATCGTAGGAAGGATACTCTCT

>trans\_c\_9056 NM\_001074147|Oryza sativa Japonica Group Os11g0247500 (Os11g0247500)  
mRNA, complete cds

AGCACCTTGAAGCACCGTCTGGCTTGGCTTGGTAACAAGTAGTACGTCAACGTCCGTCGAGAAAGGTATCGTG  
GAGGTAGTACGAGGGAGGAGGGTGGTTGTCGTTTTTAACATAAAATCCCCGAAAAA

>trans\_c\_9057 XM\_002863257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ORF64c, mRNA

GGAGGGGAGTGAAATAGTACCTGAAACCATGTGCCTACAATCCGTCAAAGCCTCCTTGTGGGGTGATGGCGT  
GCCTTTTGAAGAATGAGCCTGCGAGTCAGGGACACACACATCCATTAACAATGACAAA

>trans\_c\_9058 X56323|S. tuberosum U2-11B gene for U2 snRNA

GGGGAGAGCTACCCACAATAGCTTGCTACTACAGCTCTCGAGTGTGCCCAGGCCTTCCACTACAGCTCGGGC  
TTGGCGCACCAATGAAGAGAAATAGCAGACGGATAACTCAGGATGATATTGCACCAG

>trans\_c\_9059 DQ131178|Populus deltoides lipoxygenase LOX1 (LOX1) mRNA, complete cds

AGATTTTGGTTCAATTGGAGCCATTTTCGTTGAGAATGAACATCACAAAGAGATTTTCTCAAGGATGTTGTCA  
TCGAAGGCCTCCCTTCTGGCCCTCTAAAGAAGCAGACGAGAAGAACCCAATTACTC

>trans\_c\_9060 NM\_001062710|Oryza sativa Japonica Group Os05g0539700 (Os05g0539700)  
mRNA, complete cds

CGACATGAAAACAGAGAGTGTCCGGCAGCGGATTCTTTTGGAAGTCTTCTGCTTCGACAACGCCATTTACAA  
TATTGAATCGCTGAGAGTATAGTGGCTGATACAATTTCTGATATTTAGCCTCAAGCG

>trans\_c\_9061 AY139797|Arabidopsis thaliana At1g02660/T14P4\_9 mRNA, complete cds

CGAGCGGATGAGGCGTGTTAAGAATACCATCTGTGCTGCTCGGAGTTCCTTCTCTGCATCATTGGCATCAGA  
TTGTGGACAGTTTAGTAGATATAGGCCACTACCTGAAGGAAGGAGATCATGGCTTGG

CGAGCTCGCCATTTCCAAATTAAACTTGCCCCAGCGGCTGACGGATGCTCTTCAGAAGCGTGGGATTACCCAC  
CTCTTCCCCATTCAAAGAGCTGTTCTTGCCCTGCATTGAGGACAGCTCTCCTCAA

TGTATATCTCGAAACTTCAGAAATGCTAGACAAGAAGATGCTCATGAGTACATGGTAAACTTGCTGGAATCAA  
TGCATAAGTGTTGCTTGCCTTTAGCGGAGGCCCTGTGGCTCCCTCTGTACTATGTTTC

TGGCAGAGTTCGTGTTGCAGAGGCGGTGAGTTGCAACCCTGTGGAGCTGAGCTCATGTTCCGGGGCAATCAC  
GTCGGGGAAGAACCCATCCAGCATTTGCTGCACACCCCAAGGTGATGTGGGATGGTG

AAAGCAGGCCTTTGCTCGAATACATTAGCATGGAATAATAGAATAGGACGTGCGGTTCTATTTTGTGGTTTCT  
AGGACCGCCGTAATGATTAATAGGGATAGTCGGGGGCGCCACACCAACACAGGTC

AAACCCCGACTTCTCAGCTAGATGGGAAGCCCATGAAGTTGGAGATTGTTGGAACAAACATCGTTACACCTGC  
TGTGCCTGCTCCTTCAAATGCTAGTTTTGGGAATCATAACAAGCTTCCGAGAGGTTT

TCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGTGGCCA  
GAATAAGATAATGATGGTATGGGGGTTCGTTTCATTGCGACTCTGTGGG

TGTGTGTCCAAAGATGGTGCCAACTGAAGTTTGTGTCGACAATACTTGAACCATCGAGTGGGTCAAATGCA  
ACACTAAAACCTCCTTCAACAGGGCCTCCCATGTCTTGAAGTTCTGGCACTTCTTCA

AGCCATTGCGAGTTTCACAGTCTGAATTAGTTCATACTTACACATGCATGGCCCCGGCAATATTTCCAAAGGAG  
TTGCAAATGGATCTGCGGGTTCACCAATCATTGATGGTTCTAGAACCGCTAAGCCC

AAGTCCAGTATGGAGGATCCCTCATTACCTCCCGACTCGAAACAGGAAATTTCTTCTGGAGTGGTACCGCTTG  
CTGATGCAGGTGCTACCGGTACTTCTAGTGGACTGGCTTGTAGGTCGAACTAGACA

>trans\_c\_9071 AC239778|Solanum tuberosum, complete sequence

ATTAAAGGAGAGATGGTTGGCATCTTTTCGACAGGGTCGGGAACAGCCTTCGGGCTTCCCTGTAAACACATA  
CGGTTAAGGCTACCCACCTCTCGAAGGTGGATCTAACCCAATTTTAAACCCTGACAG

>trans\_c\_9072 U42539|Muntingia calabura 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTTAGGTTCCCATAGGTTATTGTCCCAACGAATAAGTAATTGTAGGAGTGAAAGCTTCGTATAATTCAGGGGG  
AGTTGAGCAAAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCCG

>trans\_c\_9073 NM\_001057746|Oryza sativa Japonica Group Os03g0738400 (Os03g0738400)  
mRNA, complete cds

AATTCCTGTTTAGATGTTAAGTGAAGGTTATCCTGGGGCTAGATACTATGGAGGGAACGAGTACATTGACATG  
GCCGAATCCTTGTGCCAGAAGCGTGCTCTTGAAGCATTTAGCGGTTGCGAAAATTAAT

>trans\_c\_9074 XM\_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

CCTGCAGTTCTTTTACGTCTAAGTTTTGTGCTCTCTGTTTGGCTACTCATCATACCTTTTATTACTTTTTGGATAT  
GGCGGTTGGCTTTTGTGAGAAGTTTTGGGGAAGCTCAGAGATTATTCTTGAGA

>trans\_c\_9075 NM\_102542|Arabidopsis thaliana ACA1 (AUTO-INHIBITED CA<sup>2+</sup>-ATPASE 1); calcium  
channel/ calcium-transporting ATPase/ calmodulin binding (ACA1) mRNA, complete cds

TGGAGTTTTTGTCTTTCTTTAATTGCTGTGGATCTTGGATTTGAAGGTCAGAAGGTAGAGTAGAGATGGAAAG  
TTATTTGAATGAGAATTTTGGTGACGTGAAGCCGAAAACTCGTCGAGGAAAGCCTG

>trans\_c\_9076 HM122511|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL10)  
mRNA, complete cds

GGTTCAGATTTGACCACTGCCCTTCACTGTGCTACTGCTGGTGGCTCTTGTCTTCCCTTGAGACCATCAAGCTC  
TTGCTCGACGGATCTGCTGATGTCGATGTATGATCATAAGCATTCTCTTTGGAC

>trans\_c\_9077 X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

CAAGAAGTTCTTTTGGTTAAACGCCGTGCGACTTGAGGACATCAGACTGATTGGGCAAACCAAATTGAGA  
CAGAATGCTCCTACCCACCATGCCTGTCCCTTACCGGTCCGTGGTAGTTTACGGGT

>trans\_c\_9078 NM\_105842|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT1G71840) mRNA, complete cds

CAGAACGGGCCCCAACTTCTCCAGCAGCATTTCCAAGGACTGAGAATACCATTGACAGCAAAGAATTGCTTAC  
AAGTATCAGTGCCTGAAATCTGATGTTGTGAGTTGGCTTGAAAATTAACTGGGGTC

>trans\_c\_9079 NM\_001065339|Oryza sativa Japonica Group Os07g0124500 (Os07g0124500)  
mRNA, complete cds

AGTATGGAGATGAGCGCACCAAAGCACGAGCTATGCTTTGTGATATTTACCACCATGCTCTCTTGGATGAATTT  
TATATTTCTCGTGACTTGTTGCTGATGAGTCACTTACAGGATAGTATTCAACACTT

>trans\_c\_9080 X73156|L.esculentum polyubiquitin repeats

AGGACGGCCGAACCTTGCCGATTACAATATACAGAAGGAATCTACTCTCCACCTCGTGCTCCGGCTCCGTGG  
TGGCATGCAAATTTTTGTCAAGACTCTTACCGAGTTCACTATGTGGGAGTCTGTGGA

>trans\_c\_9081 Novel Gene

TGGATAATCACATCCCTCCAAGATCCGAGTCCATTGTTGAACATATTCATTGATAGTATCTCTATCTTGAGGGT  
GTTGGCTCATATCATTAAAGCTCCTCGATGCAGGAAGAGTAGAACATATTATGATCA

>trans\_c\_9082 NM\_001050289|Oryza sativa Japonica Group Os01g0656200 (Os01g0656200)  
mRNA, complete cds

CAGAGCTCGCGGTGGCTCGTGGAAGCAAGGACAACATCAGTGTAATAGTAGTAGATTTGAGGAAACAAAAC  
GTTCTCTCCATGATGCAGCACATATATCTTAAGTTCTGCTTGCTGTGCCATCCATAG

>trans\_c\_9083 DQ113909|Hordeum vulgare subsp. vulgare cultivar Morex inducer of CBF  
expression 2 (ICE2) gene, partial cds

TGGAGAAAGGCGTTGACACATGACTGATGACTGCATTTCAATCCTTGGGCTCATTTTCTTTAGTTACTCT  
TCGTTTCATTGAGAATAGCACATATTTGAAAAATTTGGGTAGAGGAAGAAGACAGTT

>trans\_c\_9084 Novel Gene

TTCAGAGCGAAGGTACTCGTAGTTTGAAATATAGGTTGAGAGCGGTTAGGCGCAAAGAATTTGCGGGTCCTT  
ATCCTTATTAGGTAGGAGTGCAACTCAGAATGGAAGAGGTTAATATGGTAAAGACTGA

>trans\_c\_9085 XM\_002880636|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ein3-binding F box protein 1 (EBF1),  
mRNA

AAGTGAGGATTTTTTCCAGCACCAATCTATCCGAACCCCAAGGATACAAGTCTCTTTTATCCCTTGGTCCCCA  
TGTGGATGTTTATTATCCTCTCCGTAAGAGGTCCAGAGTCAGTGCTCCATATGT

>trans\_c\_9086 NM\_001055088|Oryza sativa Japonica Group Os02g0821800 (Os02g0821800)  
mRNA, partial cds

CGAGTGTTATATCTTGGTGCTGCGTCTGGGACTACTGTATCTCATGTCTCTGATGTTGTTGGCCCTACTGGTATT  
GTGTATGCCGTGGAATTCTCTCATAGAAAGTGGCAGAGCGGGTACTGTGTACCCA

>trans\_c\_9087 AF223529|Caliphurria korsakoffii internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA  
gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

TATGGGTTTCACGCCCCGGTCTGCGGTAGCCTCAGGGGGACCCCCAGCAAACGTGACGCCTCTGCGCTCGGC  
AGCGTTCAACCAGCCAAACCGTCAGCGCACGTCGGAACGCCCGTCCGACCGGCACGC

>trans\_c\_9088 EU000010|Chlorophytum suffruticosum voucher A. Bjornstad 2804 (O) 18S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, complete sequence; and 5.8S  
ribosomal RNA gene, partial sequence

TGAGTTCCACTAGGCGGGATCTCCGCGAAGCTGCAGGATGGCTTGGAAGCAAGCAAGCAGTTATGTAGGCG  
CCAACTCCAAGTTCTTTCTTCTTTCTTTTGGATTGAGTCCAACCAATGAAACTG

>trans\_c\_9089 XM\_001690903|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+



GCCGTAGCGCGGCGGCCGGAATGAGGATCTTCTCAGAGCTGGAGTTCATGGGATTATTACCGTCATTGGCTC  
GTTTGGTGGCCGGAGGACGGGGGGATTGGATTAGGAGAAGTTGGGGAGACGGCGG

>trans\_c\_9090 XM\_002866494|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pectate lyase, mRNA

ACGACCCCGTCAACCCCAAACCAGGAAGTCTCCGTTACGCCGTCATCCAAGACGAACCCCTTGGATCATCTTC  
GCTCGCGACATGGTCATTGATTGAGGAGAAGGTCAGCCGCAGGCCTCTTCAAGA

>trans\_c\_9091 GQ997168|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 photosystem II CP43  
chlorophyll apoprotein (psbC) gene, complete cds; chloroplast

GGATTGTTAGTGTGGACGATTTGGAAGATATAGTTGGGGGACATTGCGTTGGCCCAAGGTAAACATATGGGT  
TGTTCCGGGTACGCGAGGCCACGGGTTTCCCATGCAAATAGCGGCGCGTGAACATA

>trans\_c\_9092 XM\_002968978|Selaginella moellendorffii ATP-binding cassette transporter,  
subfamily C, member 24, SmABCC24 (SmABCC24), mRNA

AAATTCTGCAGTTCATGGATGAATCCGAATTGGTATTCTTTAGCTATTCATTCCACTAGTCTTTCCTTGTTTAC  
ATCAAGACAATACATTCAATTATTCATTGTTTGTATTTATGTGCAGAGCAAGT

>trans\_c\_9093 AY395701|Malus x domestica calcium-dependent protein kinase (MdCPK1) mRNA,  
complete cds

AAGAGCATCTTTACAAAGCCTTTCAGCATTTTGACAAGGATAACAGTGGTTATATCACAAGAGATGAGCTAAA  
AGCTGCAATGAAAGATTATGGAATGGGCGATTCTCCACATTTAGAAGGGCCGCAG

>trans\_c\_9094 NM\_102109|Arabidopsis thaliana ATSAC1 (suppressor of actin 1);  
phosphatidylinositol-4,5-bisphosphate 5-phosphatase (ATSAC1) mRNA, complete cds

GATATATAAACTACTATTCTGAGTTATGTGAGGGCCCTGCTATGATGTCTTCCAGAATGATCCTGAAAGGGAG  
ATGCACTATGCTGATCTTTACGCTTGGGTGCAATTGATGTGATTGATAATTCAA

>trans\_c\_9095 AB026498|Cucumis sativus mRNA for ethylene receptor CS-ETR1, complete cds

AACACATCTTATTAACCTATGGACCTTTACCATGCATTCAAGAACGGTAGCAGTAGTAATGACCACTGCAAAG  
GTTTTAACTGCTGTGGTATCATGTGCAACTGCCCTTATGCTTGATACATATATATGG

>trans\_c\_9096 AF036498|Saxifraga mertensiana large subunit 26S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

TGTGTGCGATTAGATGTATGAATTGAATGAAAGAGGAGATGATGGTAGAGGTGGAGATAAGAAAAGGCTAA  
TGCAAAGCAAAGTGACCGTATTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGT

>trans\_c\_9097 NM\_202587|Arabidopsis thaliana HEME1; uroporphyrinogen decarboxylase  
(HEME1) mRNA, complete cds

TGTGCAGGACCAAGAGGACATATTCTAAACCTCGGACATGGCGTCCTTGTCGGTACACCAGAAGAGGCAGTT  
GCACATTTCTTCGATGTAGCTAGAAGTTTGAACCTCAATACCTCACTCTGGAGCCCA

>trans\_c\_9098 NM\_001186265|Oryza sativa Japonica Group Os02g0806600 (Os02g0806600)  
mRNA, complete cds

TCCATGGCTTCTCAGCAAAATCCTCCAGCCGGACCACTTTCAACTGCATCCCAAGCTTCGAAGAATAAGTTTGA  
GACCAAGTCCACAGTATGGTCTGACACATTAAGCAGAGGGCTTGTCACGGCTGGA

>trans\_c\_9099 AY062440|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g04550; F7O18.2) mRNA,  
complete cds

CCCAGCAGAATCGTGGCCAAAACACTCCCAACCTCTATCCCCTTTTCGTCGAGGAAAATCCTTTATCGCTCGAG  
CCAGATCCTGGGCGCCTTGCTATCAAGCCTGTTCTCCACTATATATTTGGCCGC

>trans\_c\_9100 DQ132634|Arabidopsis thaliana AKINbetagamma-interacting protein 1 mRNA,  
complete cds

AAGAGTCTGTACGAACAAATCGAAAATTACGAGAATCAAACGGTTTACACAACGCACCAGATCCTGGAGTCCA  
CCTAAATGAGGCGGCGGAACCGGCATGTCGTCGGAGAATGTGTCTCACGTCTGTGT

>trans\_c\_9101 Novel Gene

TCAGTCGAGCCCTCTGATTCTCTCAAATTCTTTGATCCTATCCTTGAAATTCAAACCTTGAACCTTCTTCTTCTTA  
TTCCGTTTTTGATTCTTTAGCGGAGTGGGAGACTTCTCGATAGACCCAAGGA

>trans\_c\_9102 XM\_002882810|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

TGCTCATCCTCTTTCTCCACCCTCTTCAATGCTTTATAGACAGAATGAACAGCTGAGAGTGTGAGAGAAGGCAA  
ACAAAGATGGCTTCTCAAAGGATTTGCAAGAGAGTTTTCATTTCTTCTTGTAT

>trans\_c\_9103 AB024716|Oryza sativa mRNA for ferredoxin-dependent glutamate synthase  
precursor, complete cds

CTATATTTCTTCGCTTTCCAATATTGACTTCAAGAGACATGACTAGTCCTTCTCTGAGAGGGTCAATTGCTGGAT  
TTGTACCTGTGCAACCGTTGCTTAAAATAATCATAGAGCATGTGTGGCTTCT

>trans\_c\_9104 AP009369|Arabis hirsuta chloroplast DNA, complete sequence

CGTCCGGTATGCGCTGTCCATAAGTACTGTACTCGACTTATGACGCTATTTTACAAATAATCTCTCATGGATTT  
ATTGGCGCTGCACTTTTTTCTTGGCAGGAACAAGGGCGTATAGGGCGTATCTG

>trans\_c\_9105 AF479121|Hydnocarpus heterophylla 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CTGCACATGGGTTAGTCGATCCTAAGAGACAAAAAGGGTTTTGTCTGACGACCGCGACAGCGCGAACTTCGA  
AAGGGAATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCCAGTAATGGTTGCCCC

>trans\_c\_9106 Novel Gene

TTTTGTGGCAATTTCTTCGTTTGCGAAATGAAATCGATTCTTCCGACTAACTCGCCGGGATGACCTTTCTTGGG  
GCCGTTGACGGCGGTTACAGTTTGTTAAATGTAAAGACCAAAATTAATAATCCC

>trans\_c\_9107 XM\_003054805|Micromonas pusilla CCMP1545 DSBA oxidoreductase (DSBA\_FRNE),  
mRNA

AAAGGCAGCCATAACCATCCCAAGCCCCAATCCACGAGGAGGTCGTCGCTGTCGTCGGTCGGTTCTTCTCAAG  
CGATAGTGGCTTTGAATCAGGCCGCTAACGAGATAATAAGTTGACTGCCCCGTGGTT

>trans\_c\_9108 Z75521|L.esculentum mRNA for photosystem II 10 kD protein

AGCTGGAGTTAGTGGGTTGCGTAAGAAGAAATGGTTCGATGAATTTGAGGGATGGAGTTGATGCATCGGGA  
AGGAAGCCCCAAGGGAAAAGGGAGTGACCACGGGTGATCACCTGCATTCTCCAATTGAG

>trans\_c\_9109 XM\_002301440|Populus trichocarpa multidrug resistance protein ABC transporter  
family, mRNA

ATAGGGAAGTTGTCAGGATTTGTTGCTTAGTAAAAGACTTGGAATGATGGAATATGGAGATCAGACAGAGA  
TCGGTGAGCGTGGTATTAACCTCAGTGCGGGCAAAGCAAAGACGCACTAGGTAAA

>trans\_c\_9110 Novel Gene

CTCTCTGCTGTGTCCTGGAACGAGCGACCGTCTATTCTGAAGACAGAATCACATATGCTCAAGAACTTTCATT  
CCTCGTTATTGGTTACGTACATGAGTAGTGGTCCTGGAACGAGGCTGGCAAGCG

>trans\_c\_9111 AB024716|Oryza sativa mRNA for ferredoxin-dependent glutamate synthase  
precursor, complete cds

TAGGACAGGATGCTTGCGAGCAATGGCGCGGTGCGCACCAATAGCTTGATAGTAAAGAAATACCCATTTT  
GGAAAGAATTTTGAGAAGACCAGACTTCACTGCCTGAGTGGTGGAGCAATTGAGTTG

>trans\_c\_9112 NM\_001052548|Oryza sativa Japonica Group Os02g0168400 (Os02g0168400)  
mRNA, partial cds

TCAGAGTATTGGAGTTTGGAGGCCAGTTACAGACATTATTCTCGGTACGGTGCAAGCCACATGAAGCAGCATT  
TTACCTTCTAGACCACTACTGAAAGGGTTTGATGAAGACAGAACTTGGAGAATA

>trans\_c\_9113 AY628139|Gossypium hirsutum cultivar Siokra L23 trehalose 6-phosphate synthase  
mRNA, complete cds

AGTTTAGATGAGGATTCAATTTTATTGCAGCTAAAGAATGGTTTTTACCTGAGATGGAGGTTATATACATTGG  
TTCCCTCAAGGTTGAAATCGACCCAGCGAGCAGGAGTCTTGGTAGACTCCCAGT

>trans\_c\_9114 NM\_001187732|Oryza sativa Japonica Group Os06g0211100 (Os06g0211100)  
mRNA, complete cds

AAGCAATGAGAATTTGGATCTTGATATCTTGGTCCTTTTAAACCGTAGGCATCTTGCTAGGAAGTTGGTGGGCT  
TATCATGAATTAGGTTGGGGTGGCTGGTGGTTTTGGTCGAACGTAGGGGGCATTT

>trans\_c\_9115 U19741|Urochloa panicoides carbonic anhydrase 1 mRNA, complete cds

ATGCCCCGATAAATAGGGGGTTTCCTTAACCAGTCCTCGAGAAAATGGAACCTTTTAGTATGTCAATGGAGTGC  
CTCTCAATCGGCGTGGGTGTTTACTATATTATGATGCACCATCCCGATTTTACTC

>trans\_c\_9116 NM\_124844|Arabidopsis thaliana zinc finger protein-related (AT5G54630) mRNA,  
complete cds

AGAAAAATTGTGGAGATCATATGCAGAACAAGCTGGTTAAAGTCCGAGAATCAAAGTGGAAGAATAGAAAG  
AGTCTTGAAAGTTCACAATATGCAACGGACCCTAGCTCGTTTCGAAGAGTATCGCGAG

>trans\_c\_9117 NM\_001072429|Oryza sativa Japonica Group Os11g0181100 (Os11g0181100)  
mRNA, complete cds

GTTGTTGGTACAGGTGCTCAGCTTGCATTGCTTGTCTGCTTGTATCCTATTGGCAATTGTTGGAATGTTGTAT  
GTTGGGAGAGGAGCAATTGTCACAACCTTCATTGTATGCTATGCTCTTACGTCA

>trans\_c\_9118 EU385411|Acicarpha spathulata RNA polymerase beta subunit (rpoB) gene, partial  
cds; chloroplast

AAAGGGGGTTCGAGTTATAATCCAGAAATGATTCGTGTATATATTTTACAGAAACGTGAAATCAAAGTAGGCG  
ATAAGGTAGCGGAAGACATGGAATAAAGGTATTGGGGTAGGGCGTTTGCTCGAG

>trans\_c\_9119 AY494790|Momordica charantia var. abbreviata phytoene desaturase (PDS) mRNA,  
complete cds

AGGAAGCCATTGAAAGTAGTGATTGCTGGGGCAGGATTGGCTGGTTTATCGACAGCAAATATTTGGCAGAT  
GCTGGCCACAAACCTGTTTTACTAGAAGCTCGAGATGTTTTAGGTGGAAGACATCGT

>trans\_c\_9120 NM\_001186293|Oryza sativa Japonica Group Os02g0833250 (Os02g0833250)  
mRNA, complete cds

GTCAGCGCCACAGGACAATAAGACAATTCTGGACACTGCCACTTCTATTTCCATTGTGTTTCCTCCTCCCC  
CACCGTGGCCGCTAAATCATGAGTCTGTTCATAAGATTGTCTACAATGTTTTCC

>trans\_c\_9121 NM\_118031|Arabidopsis thaliana ERD3 (early-responsive to dehydration 3) (ERD3)  
mRNA, complete cds

AAGGGATACAGCCGTTTCCCCTCTTCAACTTAAACCGTTACCTTCCAGGAATGCAGCAGTGATTACCAAGATT  
ACACTCCTTGACAGATCCAAGAGGGCAAGGAGGACGCAACCCATATCGGCTTAC

>trans\_c\_9122 X07745|N. plumbaginifolia mtDNA for F1-ATPase alpha subunit

AGAGAGGTGCAAGGCTTACAGAAGTCTTGAAACAAGCACAATATGCACCACTGAACATTGAAAAACAAATTC  
TAGTCATTTATGCTGCTGTCAATGGATTCTGTGATCGAATGCCACTAGTAAACCCCA

>trans\_c\_9123 AM502849|Hordeum vulgare subsp. vulgare mRNA for beta tubulin 1 (tub1 gene)

AAAGGAGGGTGCTTTGGACAGGACAGTGTGGAAACCAAATTGGAGCTAAGTTTTGGGAAGTTGTTTGTGATG  
AACATGGGATTGATCCTGCTGGAACTACACCGGACTGCTGCTAACCTGGTCTAGTC

>trans\_c\_9124 CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

GGGTTCTTGGCGGCCCTTTCTTAGCAAGATTATCAGCGAGATCTCCGGTTCCGGTAGCCAGAGGAACCGAGGC  
TTCTTCGTCGGCAAAGGGCTTTCCACCTCCTCATCACCGGGGAAGAAGAGCTTTGG

>trans\_c\_9125 AY198376|Citrus limon chlorophyll a/b-binding protein precursor, gene, partial cds;  
nuclear gene for chloroplast product

CGAGCTCTCATCCTCGGTTCGAAGCAACGGTAGAATCTCAATGAGGAAATCCGGAAAGCCAGCAGCTTCCTCA  
GGCAGCCCATGGTATGGTCCCGACCGTGTCAAGTACCTTGTCAATGGAGACACACA

>trans\_c\_9126 EU302127|Zea mays cultivar DH4866 glutamate decarboxylase (GAD) mRNA,  
complete cds

CAGCTAGTGGAGGCTTTATTGCTCCATTCCTTTATCCTGATCTCGAGTGGGATTTTAGATTGCCTCTAGTGAAA  
AGTATCAATGTCAGTGGTCATAAGTATGGGCTTGTGTACCCTGGTGTAGTCGTTG

>trans\_c\_9127 HM053485|Ipomoea batatas cultivar Beijing553 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

GGAGGTACCCCTCCGCGGCCAGCTTCTTAGAGGGACTATCCGGCCTCCGAGAAAGGAAGTTTGAGGCAATAA  
CAGGTCTGTGATGCCCTTAGATGTTCTGGGCCGCACGCGCGCTACACTGATGTATTC

>trans\_c\_9128 AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TGGTAGTTCGATCGTGGAATTTATTTTTTCTGTATTTCCGGATATACTCATTTACATACTAACCAAGCTTCTTG  
CAGAACTTTAAGTCGCTAACGTCTACTATATTGATCATTTATGCACTTCTTC

>trans\_c\_9129 DQ131178|Populus deltoides lipoxygenase LOX1 (LOX1) mRNA, complete cds

TGACAACATCCTTGAGAAAAATCTCTTTGTGATGTTCAATTCTCAACGAAAATGGCTCCAATTGAACCAAAATCT  
GGAGGAATTTCAAATCTGCTTCGTAGATAATCTCATCACGTTCCGTATCCTCTT

>trans\_c\_9130 FN811156|Camelina sativa partial tub9 gene for beta-tubulin, exons 1-3, isolate  
CsTUB9

CGGTGGTACTCTCGACCCGTTGGACCCGACAACCTCTTGGAGTGGTGAGCTTGAGAGTACGGAAGCAGATA  
TCATAAAGAGCTTCGTTGTCAAGAACCATGCACTCATCTGCATTTTCAACTAGTTGA

>trans\_c\_9131 NM\_001051554|Oryza sativa Japonica Group Os01g0884700 (Os01g0884700)  
mRNA, complete cds

ACGAAGCCTTTTCGGTTGTGAGGCGTGTTTCAATCGTCCGACCTGCTCTTCCTGCTGCTGGGATAAACCCATGG  
CCTGCAATGAGCCTTAGTTGAGGATTCGTTCCACAACGGATGCAGATTTTGTTTT

>trans\_c\_9132 X72385|D.carota mRNA for B2 protein

AGAATGGTTTGGACAAGAGGTTCAAGACCCTTCCCCCTTCAGAGTCTTTGCCAGAAATGAAACAATTGGTGG  
ATATATCTTTGTCTGTAACAATGATACTATGCAAGAGAATCTCCCTCTTGCTGGG

>trans\_c\_9133 NM\_111193|Arabidopsis thaliana esterase/lipase/thioesterase family protein  
(AT3G03230) mRNA, complete cds

AGGCTGGGACTCCCAAACCTTAAAAAAGACGCAACTATGGAGCTCTCCAGGGGAATCGGTTCTCGATCCA  
GCCAAATAAAATGAGTTTTGGAACGCTATAGCTTAAGAGGTCGTAGTGAGCGAGTCG

>trans\_c\_9134 XM\_002866494|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pectate lyase, mRNA

CTCTCTCTCTCCTTTCCCTCTTCTCTCTCCATTTCTCTCTCCGCCGCTCTCTCCTCCGCCCTGCTGCCGTTTCTG  
ACCCAGAACTCGTCGTACAAGAAGTACACAGGAGTGTAATCAATGCAACCT

>trans\_c\_9135 XM\_001691498|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CTGGTTGTCTGAAGTTCCTTGCACTAGATAAAACCATGTGGGTATCTTGGCACAACCTCTGCTCCTGAGATGA  
TTTACAAACACATAGCACTCGCTCAAACATCCGCGTACAGGGCGTGTGCGGACAC

>trans\_c\_9136 NM\_128789|Arabidopsis thaliana UCC1 (UCLACYANIN 1); copper ion binding /  
electron carrier (UCC1) mRNA, complete cds

GTTGATCGCTAACTTCTGACCTTGCTGGCAGTGCCCATCCTCATTGCTTATGAAGTAATACTCGCCGGGAGTTA  
ACAGCGGGATGTTGCTGGCCCATGGTCGATATCGTCACCGATCTCACCGTCATC

>trans\_c\_9137 BT008376|Arabidopsis thaliana At1g70820 gene, complete cds

ATATCTCGGCTCTCGGGAGAGACCCGAGAATTTCCGGCAGTGCTTTGAGTGCTGCGGTGTTGCCGGAGTTA  
GTAGGGCGGGGTGTTTGGTGTGTTGATATGGGACTTGCCAAGCCAAATGTTGTGTTTG

>trans\_c\_9138 NM\_123450|Arabidopsis thaliana UPM1 (UROPHORPHYRIN METHYLASE 1);  
uroporphyrin-III C-methyltransferase (UPM1) mRNA, complete cds

ATCATACAAAAGCAAATCAGCACTCTGAATCACTTTCACTGCCTTCAATGTCAAAGCTCTGGATCACCAGGGC  
CAGTCCCCACCAGAAACACATTCCCAGGTCCACATTTTCCATCATCGCATCCACT

>trans\_c\_9139 AF036488|Gnetum gnemon large subunit 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGCCCACTGATGTTATGACGAGACCCGTTGTTGGACCTAAAGCAAGCCAACACAACCTCTCTACGCCTAGGA  
CACCAGAATATCAGGCTCTTAGTTCAGTCATAATCCAGCGCACGGTAGCTTCGCGC

>trans\_c\_9140 Novel Gene

AGGTACGCCGTTAGAGTGAGTGCGCTTTACTAATAGAAAGTAAAGGCTCTAAGCTCCGCTCCTTCGACTGATT  
GTTTCGATCGGATCTCAGGTTCTTATTGCACTCCCTAAATAGGGTTCTTTTACC

>trans\_c\_9141 XM\_002301328|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit  
(CHR958), mRNA

ACTTGTCGAGTTAGCTCCATACGCTGACGCTCACATAAGCGTACAACTTCCTATAGGGCCTATCAGGCATTGC  
CATTATCTCTTGTGCTGTTGATCAATTCATCCCTCAGACGTGCCTGTAGATCT

>trans\_c\_9142 FJ182724|Capsella grandiflora isolate DoukadesKorfuGreece910\_20 At1g78850-like  
protein gene, partial cds

TTAGATCTGCTTCCTAATGGCAACATGGTTCTCCTCGACTCCAACGGCAAATTCGTTTGGCAGAGCTTCGATTC  
ACCGACGGACACACTCTAGTCGGCCAATCGTCTTAGGCTAATAATGTAATGGGA

>trans\_c\_9143 Novel Gene

TCTGTTTGTCCGCACTTATGTTTACTGAATCACATGAAATTTTACCTAACTTCATAGGTGTAATAGATGTAATG  
CATGAAATACATATGAACGTAGGAATAAAGAGACTTTGATACTCTGGCCTTTAA

>trans\_c\_9144 AL161546|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 46

AAATATTTTCGATATTGGAACCAACAAAACCAATTGAATTTGAAAACACTCTCTGTTTTATTTTGTGTGAAC  
TCGATCTGGGTTTTCTTCAATCTTCAACGAAAGAGACAGGGATCCAGCTCCTT

>trans\_c\_9145 Novel Gene

TACTAGACGGACCCTGATGATGATGAACATAAACTTTTCGTTCTCCTGAGGCTATGAATGCTGATAATCATTGG  
AGACCTGAACTGAAGGGTCGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGTGACTG

>trans\_c\_9146 AY850135|Hordeum vulgare senescence-inducible chloroplast stay-green protein  
(SGR) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GACAGCGCGAACTTCGAAAGGGAATCTATATGGAAGTAGTTTAAAATGTCGTCATAGAATGCCATGTGTGAA  
ATCTCAATATTGTTTTCTGATAATGTATTGAGAGATTATATGATTTTCGTCGCACAG

>trans\_c\_9147 GQ997227|Ehretia acuminata voucher FLAS:M.J. Moore 317 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

GGGCGCGAGACAACTCTCTCTAATGAAGTGGATGGTTAGAAACACCAAGATATACAAAGGATTAGTAATGGA  
GATTTTCAAATTATCCAAAACCAAAAGAGAGAGAAGGACCGGGGTACCCCGTAAG

>trans\_c\_9148 DQ629523|Nowellia curvifolia small subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

AACAGCTGGAAACGGCTGCTAATACCCCGTACGCTGAGGAGCAGGGATTTTACTCTCCCTACTTCGCTCCGCA  
GGTGGTCCCGGAACACGCAGGACCCTGCGCCCCGCCTCCCGGATGAGGATGAAGTA

>trans\_c\_9149 DQ848676|Catharanthus roseus 1-hydroxy-2-methyl-butenyl 4-diphosphate  
reductase mRNA, complete cds

ACTTGAGGAAGGAAGGAAACAGTTTGAAGTGGTTGATAAGGGTGATGTGGTGATTTTGCCTGCATTTGGAGC  
AGCGGTGGATGAGATGTTGACATTGAGTGACACCCACCACACAATCACCACGTGTGT

>trans\_c\_9150 NM\_001186973|Oryza sativa Japonica Group Os04g0377932 (Os04g0377932)  
mRNA, complete cds

GATTTCCATTAAGTGCCACATTGTCTTCTGGTTTTTTAGAGGATACACCTTCTAATTCTTCTCTAGTTGAAAGCG  
GAGATGCAATGGACTGTGCTGGTTTCTTTTCTCAAGAAATGAGTCGAAAGCCT

>trans\_c\_9151 DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

ATGAAAATTGCTCAGGATACCCTTTTTTAGGGGCTCTTCTAGAATCTATTTCTTAGTTCAAGATCCCTCTTACTA  
ACTGGAATCAAAGAATTAGTAGATCTGTTCCGCCCAAATGGGAATGGGCTAAA

>trans\_c\_9152 AY790160|Cucurbita argyrosperma subsp. sororia voucher TCN# 1159 microsatellite  
ccSSR1 sequence; chloroplast

CCTCGTAAATAGGTAAGACTTATCAACGGACTCTCTATCCTCTCTTTTCTAAACAGTAGATTAAAACCCCTATTT  
TAGGATAAAAAAGATGGTTAGAAATCCTTTAGAACCTTTCCCTCTTCGGCCT

>trans\_c\_9153 AY968417|Marah macrocarpus 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGAAGCGGATGGGGGCCGGCGATGTGCCCCAGTCGGATGTGGAACAACAGCAAGCAGACGGATTCCCAATG  
ATAATCCATGATATTACAACCAGCTACTTCTGATCATAACGTTTCCTAAAGGTTTCT

>trans\_c\_9154 AF331659|Ipomoea batatas starch phosphorylase mRNA, partial cds

GCATGGGATATAACTACAAGGACTATTGCTTATACCAACCACACTGTTCTTCCTGAAGCACTTGAGAAGTGGTC  
ACAACATGTGATGTGGAAGCTTCTCCGCGCCGCGCAAGGGCACGGTGGAGGGC

>trans\_c\_9155 Novel Gene

GAAGATTAATCTAGGAATTTCTGACACAATGTCCTTGGTATTAACCTACCCTGTCACACCTTCACAGGGATGA  
AATTGCTCCTATTTGGTACCGACAGATGTGGCGTCTTTCATATAAACTTGTG

>trans\_c\_9156 DQ862464|Capsicum annuum Cys-3-His zinc finger protein (KR1) mRNA, partial cds

AGTACGATTACTGCTGGTTGGAAATGCGGCAAATGCCTTGAACAAGTCACCGCAGAGAAATCAGTTAGTTCCT  
TGCATCAAGTGCAGAACAGGGATGAATCATATGAAGATGTAAGTGTAGTATAA

>trans\_c\_9157 AF424585|Arabidopsis thaliana At2g19880/F6F22.9 mRNA, complete cds

GGAGTTACTGCATCTATGAATATCATATGCCTTGTTCAATGGGCTTTGCTACTGGTGGAAAGACATTTTTTCTTT  
GGGGAGGTTGCATGATGATGCATGCTGATGATTTTAGCGCGTCAATGGCGTTG

>trans\_c\_9158 NM\_001063317|Oryza sativa Japonica Group Os06g0144600 (Os06g0144600)  
mRNA, partial cds

AGATTAGTAAATGGATAACAACATTTTGTATCACATCCCATCCGTTGATGAAGCAACAAATACTCATCCATCCA  
CAATCAACTTTTACGTCTCAGTTCCAGAAGGTCCAGGAGCTGAGGTAGTTGACT

>trans\_c\_9159 Novel Gene

CTAGGGATGTGCTTAGAGATTTATCTCATCAGTTGCCTCCTCCAAAGTCTCAGTCTTTCGAAAACTGCAAGAG  
TTGGCGAACGAAATGAGGGACTATGTTGATCCAGGCAGTCCAGGGTCTATTATG

>trans\_c\_9160 NM\_122032|Arabidopsis thaliana DIN10 (DARK INDUCIBLE 10); hydrolase,  
hydrolyzing O-glycosyl compounds (DIN10) mRNA, complete cds

AGAGAGAATTTCGAAGTTCCAGAAGGAGGAGGATCCAACGGAAGGGATCAAGAACATTGTAAACATCGCTAA  
AAACAAGTATGGATTGAATATACATATACATACCGTACGCTAATGACCATATTTTTT

>trans\_c\_9161 NM\_001065628|Oryza sativa Japonica Group Os07g0191200 (Os07g0191200)  
mRNA, complete cds

CCCCTCTTTCTGTTGCGGAGCACCTTTACTGACTCTGTGCATCTTGCCCTCGTGGTCAATATAAGTCAAAGCTGT  
TCGCTTATCAGTAGGATTGAAAGGAAGGAAATGTACTTCCTGAATCCCAGCAC

>trans\_c\_9162 EF488069|Pisum sativum chloroplast ATP/ADP translocator mRNA, partial cds;  
nuclear gene for chloroplast product



TGAGGTTACATGGAAATCAAACTCAAAGCACAGTCCCCAGCCGAACGAATACTCTCTTTCATGGGTGAT  
TTCTCAACCGCTACTGGAATTGTGACATTCTGAATGTACAACGATTGTCTGGGCGC

>trans\_c\_9163 AB517043|Cardamine nipponica CRY1 gene for cryptochrome1, partial cds,  
haplotype: G

AAGGGAAGTAATGCACTTCTCGCTCGAGCATGGTCTCCTGGATGGAGCAACGCAGATAAAGCTTTAACCACAT  
TCATCAATGGACCATTACTTGAATACTCAAAAAAATGCCAGAGGGCCTATCACC

>trans\_c\_9164 AM233530|Citrus lanatus chloroplast partial mRNA for red chlorophyll catabolite  
reductase (rccr gene)

AATTCGAGTTGGTTCAATGTAGCCCTACTTTTCTCATCTTCTTCTTGACTTGCTTCCTCGAACCGATATCATCCT  
CCACCCCGACTACCTTACCACCTACTACGAGGAGACCGCGGAGAGAGGATCC

>trans\_c\_9165 AY105426|Zea mays PCO146438 mRNA sequence

GGAGAAAACAATTGTCAATTCAAGAATAACGGTGTCCCTAGAGTTGAAGGGTCCAAAGCTCCTCTGGTTTTG  
AATGGCGAGGATGCGAAGTTGATTCAATTAAGATTAATAGTGAGGACCTGACTT

>trans\_c\_9166 AY584532|Lycopersicon esculentum DWARF1/DIMINUTO (DWF1) mRNA, complete  
cds

GGCAGTTAAGAGTCTTTGGAAGCATATCTACCTGACATGACCACAGCTTCAGAAGGGGTATAAATCATAGTCT  
CAACAAAGTCAGGAACCTTTTCTGGGTTATCTTGATCTCCATCTCTAGGTGCAAG

>trans\_c\_9167 AJ271439|Prunus persica mRNA for plasma membrane H<sup>+</sup> ATPase (PPA1 gene)

ACAGCTGATTGCTACTTTAATTGCGGTTTATGCAAACCTGGGGCTTTGCTGCCATTGAAGGAATTGGATGGGGT  
TGGGCTGGTGTTATCTGGCTTTACAACGCCGCTCCCCGTGCTTTGTCCAGCTCTG

>trans\_c\_9168 BT010331|Arabidopsis thaliana At3g62310 mRNA, complete cds

ACAGGAACCTGAAAGGGACTATCTTGAAGCTGCTATCCGGACTGTTGTACAGATTCATTTGTGTGAACCTCCT  
GGTGATATACTTGTTCCTCACTGGTGAGGAGGTTAACTTCTGTACGTGATAC

>trans\_c\_9169 FJ160583|Hevea brasiliensis microsatellite Hbtrn-99 sequence

TAATGGTCAGTACGGAATGAGGATGGCTCGTGCTGATGACTATTATGATCGTGAAATAACAGAGGAAGAGTT  
TGAGAGGCTTCTGAATTTGCTGAGCAGTGCAATAATAATAAATTCCAGAATGT

>trans\_c\_9170 Novel Gene

TGTTTCAATTTTCTATTGACATTCTGACCTTGAGAACTCTCCTCCTGTGTTTTTGTGTAGTCGTAGTAGTTC  
TTCTTGTTGTTCTCCTCTTAGTACCTTGAACCTACTCTTCAAATCTATAG

>trans\_c\_9171 AF043554|Nicotiana tabacum hairy root 4 (HR4) mRNA, complete cds

GATAGGCAAATCCGTCCGGCATAACGTCAAGCTGTGATGGGGAGGGAACTATAGTACCGAAGCTCCTGAGTT  
CACACTGCCAAGAAAATCCTCTAGTGAGGAAAGAGGTGCCCATACCGCCCCAAAGT

>trans\_c\_9172 CP001331|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13, complete sequence

CCATTAAGTGGGTGGAGACCTGGTTCTAATGGCACGCTGATGAAAGCGAGGGTGGCTCCATACCCCTACTTGT  
ATTCAGATTGACTTTTTCACTTTCTCTCCATACTAGGGGGAGGTGAATCAGAGC

>trans\_c\_9173 AJ621787|Camellia sinensis var. assamica microsatellite DNA, locus CamsinM2

AATGGAGTGTCTTCTTCCATTTGATCCACTCTGGTAATGCACTTAGGATAAGACCCTCTTCACTGCAGT  
CTTGAGTATGTGTATATATATGTTTATGTTGTGTAAACACGTATATTAGAAAA

>trans\_c\_9174 XM\_002867928|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transcriptional repressor, mRNA

AGGGTTGCCAGTTCGAGCTTTGGTCAGGAATGAAGAGAAAGCAAGGAAGATGTTAGGCCAGACATTGGATT  
GATTGTTGGGGATGTTACTAAGGCGAGCACTTTGGCACCTGACTTGAAATTCCCTC

>trans\_c\_9175 EU002537|Reseda lutea RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds;  
chloroplast

TTAACATCCTAAAAAGTCAATTCGATAATCTATCTTCTCTACAAAGGCAGTTGAGTATTTACAGCTCGTCA  
TTTTGGACGTCTTTACGTTGCATTATTTGATTTATTCGGACCCGAAGGCAGAC

>trans\_c\_9176 EU252574|Glycine max gigantea-like protein 1 (GIL1) mRNA, complete cds

TAATACAAGTACCGAAATGGAAGGAATCTCTCGTTGGGTAAATGGAAAAAGACAAATTCAATATGAAGACG  
GTACCCGCTTTTATCCTGGACAATCATCTGTCCAAAAGTGTGATAATTCATCCTAT

>trans\_c\_9177 FN824388|Chaetophora elegans partial 18S rRNA gene, culture collection  
CCAP:413/2

TAGCTCTAGAATTACCACAGTTATCCAAGTAGGAGAGGAGCGAGCGACCAAAGGAACCATAACTGATTTAAT  
GAGCCATTCGCAGTTTCACTGTACCGGCCGTGCGTACTTAGACATGCATGGCTTAA

>trans\_c\_9178 X66325|S.alba 18S, 5.8S & 25S rRNA genes

CGCTTGGTTGAATTTCTTCACTTTGACATTCAGAGCACTGGGCAGAAATCACATTGCGTTAGCATCTGACTATG  
AAATACGAATGCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCC

>trans\_c\_9179 XM\_002961635|Selaginella moellendorffii terpene synthase, mRNA

TCAGCTGGTGGTGGGGCTGATGATGATGATCTTTACAACTAGGTTTCCATGTGTCATGTATGTTAGAACACTT  
CTAATACTGCAAATTTGTGTCTTTTCTCGTATATGAAGAGATCTGACCCCTCA

>trans\_c\_9180 DQ014509|Eucalyptus grandis cellulose synthase 5 (CesA5) mRNA, complete cds

CGTTCCTATTCCATCCTCTCACTTGACCCCGTATCGTGTTGTGATCATACTTCGTCTTATTATTCTGGGCTTCTTC  
TTACAGTACCGTTTAACACACCCTGTGAAAGATGCATACCCCTTGTGGTTAA

>trans\_c\_9181 BT003112|Arabidopsis thaliana At5g53160 mRNA, complete cds

TGGACACTCCTGAAGGAAACACAAAGGACGAGACTTGCTTCGTTGTAGAGACATTGATCAAATGCAATCTCAA  
ATCTCTAGCTGATGTCTCAGAAGGGCTTGCCATTAGAGCCAAGTTAGATTCCCT

>trans\_c\_9182 GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

GAGGTGGAGTCTCAAAGAATGCGTCGCAAGACGATCTAAGAGGAGCCTATAGAAAGGCCGCTATCAAGAAC  
CATCCTGATAAAGGTGGCGACCCCGAAAAATTCAAGGAGTTTCGTGTTATTTGCCC

>trans\_c\_9183 DQ304537|Cucurbita maxima translationally controlled tumor protein mRNA,  
complete cds

GCCTCCACCCCAGGGTTCTACTCCGTAGGACACATCTGTTTATTAGTTTCTACTATATTTGCCTTTTTCTCATGAC  
ATTTGAATTTGGATGGTTTGGGCTGTTTTTGGGGGTTTTTAAAAACCCAAAA

>trans\_c\_9184 NM\_001057104|Oryza sativa Japonica Group Os03g0586500 (Os03g0586500)  
mRNA, complete cds

AAGATGAGGTGCGAGAGAACAGAGAGAAGGTAAATTAGTCCTCAGTATCTGTATCAATCGGACAAGATCCAT  
CATCTACATTGGCAAGTGGGTTGAATAAATGCGAGCTAGGATCTGTGCAGCCTAGT

>trans\_c\_9185 GU902266|Gunnera sp. SM-2010 photosystem 1 subunit A (psbA) mRNA, partial  
cds; chloroplast

TCAAAATATGCGGAATTTCTACTTTTCGCGGAGGGTTAGATCCAGTAACCGGGGGTCTATGGTTAACCGATA  
TTGCACACCATCATTTAGCTATTGCAATTCTTTTCCTGCGCTATTGACACGTAT

>trans\_c\_9186 EF571296|Glycyrrhiza uralensis 18S ribosomal RNA, partial sequence

GCCATAAACTGGAGAGTCTTGACCAATTTGAAAGATCATTTAATGTAGTTGAAAAAAGACCTCTGACTATGA  
AATACGAATGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAA

>trans\_c\_9187 AF017159|Hemsleya heterosperma 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAGGTATGAGAAGTAAAAGACCCCCAGCTGGGACTGGGAACTTGAAGGGTCGTCATGACCGGACTGTCAA  
CAGTACCTCGTTTTGTCGTACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTG

>trans\_c\_9188 DQ137280|Monocladus amplexicaulis voucher YHQ046 (KUN) granule-bound starch  
synthase (Waxy) gene, partial cds

GAAGCTGGGGTTCTTGGCAAAGTTGAGGTAGGTTGTTTGGTTTTGCAAATCTTTTCAATTGTATATCTGTTTT  
GGATGAACAACACTGTTTCTGAATCTATGGAAAGAAAAATGTCAACACCACACA

>trans\_c\_9189 NM\_116263|Arabidopsis thaliana transcription regulator (AT4G00390) mRNA,  
complete cds

CAGAGACTATGGAGTGAGGACGACGAGATTGCTATACTGAACGGTATGATCGATTATTCAGCTGAGAAGGGT  
TCTGACCCATCTTTGGATATGAATGCATTTTCATGATTTTCATCCCTCCCGAGAAGGT

>trans\_c\_9190 U79733|Beta procumbens nematode resistance (Hs1pro-1) mRNA, complete cds

CTTCAGATCGACGACGTTGGTGGAGATTACAAAGCAATGCAAGGATCTGAAGCACAAGGTGCCGTTGATCTT  
GGATGTGGAAGTTGATCCAATGGGGGGACCAAGGATTCAAGAGTTTATGTATACGT

>trans\_c\_9191 GU323501|Citrullus lanatus Ycf5 (ycf5) mRNA, partial cds; chloroplast

AATACCACTACTTTTTTCGAAGAATTATTATAAGTCTCAACTGATTCAACATAATCTAGTAACCTCAATAGCATA  
ATAATCAGATCCCAAATAGAAAAATTATGCGAACGCTCTTTCAGGGGCAGCGC

>trans\_c\_9192 CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

AGACGGTGGATCGGAGCGGGATACGTCGGCGGACTGATGCTTTTTGGATCGGAAGAGTCGTTAGGGCTAA  
ATCTTTTGGGGATTTCATCATGGGCGAAAGTGGGGAAGGTAGAAAAGAGAAAAATG

>trans\_c\_9193 NM\_001052199|Oryza sativa Japonica Group Os02g0113800 (Os02g0113800)  
mRNA, complete cds

CCGTCACCCATTCTTACTAAGCCCAGTCCCTCCCAAGACTCCCATTCTCCCCTTTTTCCCTATCTTCTCCCACTC  
GTGCTCCCGCTCCCAACAGAAATCCCATCCTTTTCAGCCCACTTCCCAAGA

>trans\_c\_9194 AB218598|Solanum lycopersicum LeCNX61.0 mRNA for calnexin-like protein,  
complete cds

GAGCTCATTTACAATGGCGTATTTCTTGCCTTCTCACTTACTAAAAGTCCGTAATCATCATGCCCTCACTCTTA  
GAATGCTTCCAGACACCTTGATAATCGTCCTTCTCTGACACGATCCAGCGGC

>trans\_c\_9195 NM\_125085|Arabidopsis thaliana LUT2 (LUTEIN DEFICIENT 2); lycopene epsilon  
cyclase (LUT2) mRNA, complete cds

GATACTACCGTTCAGATCTTCTAAACTGAGGATTCACTGAAGCAGGTCAGAACAATGGCGATATGATGAAC  
TCAGACATGGTTTCTTTGATGGCAACCACAGATTCGCAATGGCGACAATGGTAGT

>trans\_c\_9196 NM\_101108|Arabidopsis thaliana KEU (keule); protein transporter (KEU) mRNA,  
complete cds

ACTGATTGAAAACTTAGCAAAGGTGAATTATCCAAGGATGATTATCCATGTCTAAATGACCCCACTCCA  
ACCATGGACCATCTCATACTGCAGCAGTTCAGCCACTCTGGAGTGAGTACACC

>trans\_c\_9197 AY042810|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F10B6.14) mRNA, complete cds

ATTACAACATGAAGAAGAGAATGCAGAAGGAGATATCTGGGTTGTTGGAAAGAATGGAAGTAACAAAGAAG  
CAAATAGTGTGAAGGTGAGTGGGTATGTGCTATTTCTAACTTGATTTTGTGGAGTG

>trans\_c\_9198 XM\_002879225|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata BTB/POZ domain-containing  
protein, mRNA

AATGCAATCTTAATGTGGGGTTTAGAAGCAAGTGAATTATGTGGGTGGATGGCTGTAGATGAGCTTATAACAT  
TTTCAACCCCTGAAATCCTTTTTGGTGAGAGACTTCAATCAGTTCAGGATTTGCT

>trans\_c\_9199 DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

CGTCTGACCGCAGGAACCCCGCATCTTCACGGGGAATTCAATTTCACTGAGCCGATGCTGGAGACAGCGGGG  
AGATCGTTACGCCATTCGTGCAGGTCGGAACCTACCCGACAAGGAATTCGCTACC

>trans\_c\_9200 FJ708776|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

AAGTAGTGGTGAAACACTAGACTTAATAGCTTGAGAGTTCTTAGTCTTGTGTCTTTGGGAATCTGGGGTCCAC  
TTCCAGACAAAATCCATAGATTATCTTCACTTGAGTATCTCGCTCATAGAGTAGA

>trans\_c\_9201 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

GGGTAGTCTACTTCAGGAGGTCCACGTGCAGGACCATCACGCGCACCTAAACGGAAGAAACGGGCACCAAG  
ATGACGTTAACGTGGTGTATGACGAAGTCTCCACGGTCATGATCACCTGTGGGAC

>trans\_c\_9202 AB490003|Citrus lanatus subsp. vulgaris CitAuR mRNA for auxin-repressed  
protein, complete cds

CTGGTAGAACTTTGCTACCAAGTGATAACAACGACTTGTCTTCGACAAGCCTCAACCCAATTCTCCAAGTGT  
TTACGACTGGCTCTACAGCGGTGACACCAAGAGCGAGCACCACACCACATACCA

>trans\_c\_9203 Novel Gene

CATGATTTGAATTGGACGTTTCATGAGAAGATGAAGTCAGTGATCCACTACGCCTTCAACAAGCACTTGATCCT  
ATCCTACGCGTAGCGGTGGCTTCTCCCCTCTCATTTGGAGTCAGACCCTT

>trans\_c\_9204 NM\_179290|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C-related / PP2C-related  
(AT1G09160) mRNA, complete cds

CTTTTACAGGAAGAGAGGGAACGTGTAAGTCAAGTGGTGGTGAGGTTGGGAGGCTCAATGTTTTTGGCGG  
GAATGAGGTTGGTCTCTACGTTGCTGGCCTGGAGGCCCGCATTCCTCGAACTGG

>trans\_c\_9205 XM\_002329191|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP714A3), mRNA

GACCACGAAAACACAAAAGCATAAAAAGTTGGAGAAGGAGATTGAGTCAATAATATGGGAGACAGTTCAA  
CAACGACACCCCTTTACGAGATTTTGGAGGAGCAGAAGTGGAACGGGTGGTACTAGC

>trans\_c\_9206 DQ629344|Ceratophyllum demersum large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

TTTTACGCAAGCTCTTGTTGGCGTTTGCCTTACTCAAGCCGACATTCTCGCTTCCGCTTCGTCCACAACTGCTCG  
CGCAGTCGCTTCCCTCTAAGGCGGAACGCTCCCCTACCGATGCATTTTGACAT

>trans\_c\_9207 U82973|Citrus sinensis pectinesterase (PECS-1.1) gene, complete cds

CGAGGCTTTGTTTCATTAGAGAAAATTGCTCTCCATGATTGTCTTGAGACCATTGATGAAACGCTTGATGAACTT  
CATAAAGCTATTGTGGATCTTAATGAATACCCAACGCCCCCTGAGAGCGGTTTT

>trans\_c\_9208 NM\_001125641|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding  
(AT4G34100) mRNA, complete cds

TATCGTGGCTTTTCTTTCAGCCAGTGGTCCTGTTTTCTCAACTATGATGCCACTTACTGAGTCAGCTCTCTCCTT  
AGCAAAATTACATTGAAAAATGCATTGACTCGTGACGCTACCGAGTGTG

>trans\_c\_9209 EU002435|Neurada procumbens photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB)  
gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes,  
complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

GAAGCTGTGGGGTGCGTCCTAAATGCCGAACATGGGAAGGCCAATTAGGTATTCCTAGCCTATGGGTATAAG  
GGCCTGGTATGTTAGCGGTTACATGAAATGCACCAAAACCAAAGCAACCCAACCT

>trans\_c\_9210 NM\_001057799|Oryza sativa Japonica Group Os03g0748000 (Os03g0748000)  
mRNA, complete cds

GGAATGATGGCCAGTTGTACGGACCTCAGCACTACCAATATCCTCCATACTTTCAGCCTCTTACTCCGACTGAC  
AGGCCGATATGAGGATCAGGGTGTGTCAAGGAGGTTGTGTCCCTCTGTAAAGC

>trans\_c\_9211 CP001330|Micromonas sp. RCC299 chromosome 11, complete sequence

AAGTGAAAAGAAAAGAGAACAAATGGAGGAAATGGATCTCTACCAACAGCAGCACACCACCAGGCAGG  
AGCAGTCATATCATATCTCATATCCAATAAAAGAGTTATTTATCTAGAATTTTATTT

>trans\_c\_9212 DQ784686|Capsicum annuum cultivar Hanbyul pectin methylesterase inhibitor  
protein 1 (PMEI1) gene, complete cds

GCGCTGCACACACCCGGACAAGCAACGATGACGCGGGTGAGACAGGTGGTGCACTTCAAGATACAGCTAAT  
GCAAATCAGCGATCCGATTAATCAAAGACAGAGCATTACTAGTCAATTGCGTGGCAT

>trans\_c\_9213 DQ452532|Cucurbita maxima RAPD marker OPAA04\_1131 genomic sequence

GGTCTCTCCCCCTCTTTCTTACAACTAGTTGCTGCATGCTATGGGATCTCGAGAAATGGGAGGTTACAATTG  
AGAATCCACACTCTCATTACATTACATTTTGATGGAGATGAAAAGGAAGAATCT

>trans\_c\_9214 AB205049|Chrysanthemum x morifolium PDS mRNA for phytoene desaturase,  
complete cds

ACTGAAGATAGTTTGTGTGGATTACCCTAGACCACAGATAGATGATACAGTTAATTTTCATTGAAGCAGCTTCCT  
TATCTGCTAGTTTTCTGCTTCTGCACGTCCCAGGAAGCCATTGAAGACGACAG

>trans\_c\_9215 AY224188|Medicago truncatula adenosylhomocysteinase (AHC1) gene, complete  
cds

GATGGAGTAAATGCCAGTTTTTCATTGTTTGGTTTGTGTGGGATTTCCAGAAGACCTAATTTTGTTCCTCACTTT  
AGATTTAAGAATGCTGTTCATCTTTCAATTTATAGTGAAGTTATTGTTGATT

>trans\_c\_9216 XM\_002866197|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 23,  
mRNA

TTTGAGAATGGGTTGGACCCTGAACTCAGTTTCGAGATCACCTTTCGCCGAATTGGTGCTGGCTTGCAAAT  
CTTGGAACACCTGTTTTCTCAACTCAGTGTTGCAGTGTTGACATATACAGACA

>trans\_c\_9217 AF047842|Solanum tuberosum phosphoglycerate mutase (pgam) mRNA, complete  
cds

ATCGTTTTTTTCTACCTGTTTTGTTGATCCAAAACAATAAGACCAATTATCTTATCCTTAGGAAGCTTAGGATGA  
TCAGGCAATTTCCATGAGAATCCAGAACTCCCCATCGCGATTAAATTTCTTCT

>trans\_c\_9218 AF110450|Arabis parishii alcohol dehydrogenase gene, complete cds

CAAGACTTCATCACGAACACGTTGAAAAAGCAAAAACATGTCCAGAACTTCAAAGATATACTCCAGATTTAGA  
AAGGTTCTCAAGAATCCGACATTCAACACCACCCAGAAGCGTCTATCTAAACTT

>trans\_c\_9219 U20185|Arabidopsis thaliana MADS-box protein AGL15 (AGL15) mRNA, partial cds

GAATCACTTGGCAGATGGTGGTATTATTGAGAGCCCTATCCCAAACCTTCTTCTGTCTCCTAACTCTCCCTTTCT  
CTTCTCTCTCTTATGAATCACTGGTTTGATTTGAGATAGTTTTTAAGTAA

>trans\_c\_9220 XM\_003083403|Ostreococcus tauri Nuclear helicase MOP-3/SNO (DEAD-box  
superfamily) (ISS) (Ot16g00010) mRNA, complete cds

AGTGAAGAAGCAGAAGAAAGCCGTTGGTCCAAAGAAAGAAGCTATCCAGAAAGAGGTTATCAGCTGCTTTC  
CTTCCCAATAGGATCCAGTCTCTGGTTCATCAGAGTCCGCGCGAACTGATTTAGT

>trans\_c\_9221 X86563|Zea mays complete chloroplast genome

TACCTCGGGTTTTGGGGTTTTGGTTGCGCAATAAAGTCAGTAAAGTCTAGTGGGCGTCACAGGGCACTGACA  
GGGCGGTGCTCTGACCAATTGAACTACAATCCCTGTCTGCTCCTTCCTCTTTTTG

>trans\_c\_9222 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

TGGAAGAGTTGCGTGAATCAAAAATCCAAGGGAGGTTTCATGGCCAAGGGTAAAGATGCCCCGAGTAACTGTTA  
TTTTGGAATGTACTCGTTGTGTTGAAACGGTGTATATTCCTTAGTTATCGGAT

>trans\_c\_9223 Novel Gene

CAGGTACATGCGAAGAAATCCTCTTCTTTTTGGATTGTTTTTCATCTAATAATTTTCTTCCCCTTTCCTCTTTTTTC  
TTTTCTTTCAATTTACCTATGAATATATATATATAATCACCCACAAAT

>trans\_c\_9224 NM\_100952|Arabidopsis thaliana SEX1 (STARCH EXCESS 1); alpha-glucan, water  
dikinase (SEX1) mRNA, complete cds

GGTCTTGGATGACACAAAAAGTATCTGATGAGCGGCTGCAGGATCCGGTGGTATGCTTCTCCCTTGTTAGCA  
AGTGCAAGACGGGTTCTATCAAGCACAGACTTCGCATATAATGCCCAATGATCA

>trans\_c\_9225 GQ504645|Ficus tremula isolate Fsp233 rpoC1 (rpoC1) gene, partial cds; chloroplast

ACTTGAGTAAAGAGTAGTTGGGGGGTTTTATTTTATAGAATTTGAAAGCGGGAATCCCTTTATTTGATGTAAC  
ACTTGAGCCGGATGAAAAGAACTTTCACGTCCGATCCCAAAAGGGGGAGAGA

>trans\_c\_9226 NM\_001064295|Oryza sativa Japonica Group Os06g0524700 (Os06g0524700)  
mRNA, partial cds

CAATATTATTGATTATGACTCCAGAGTTTACAAGTAAACGTACGTCTTCTCTGTACTTATCAAATCATCCATAA  
ATAAGATATATTGGGTTGCATACATGTTCTGATTCCTGCACGGAATTGCTC

>trans\_c\_9227 NM\_001051368|Oryza sativa Japonica Group Os01g0853700 (Os01g0853700)  
mRNA, complete cds

AAGACACTGTTGAAGTTCCTTTCCGCCTTCTGAAGGGATTGATATCTCCCCAGTGGTGCTTGGTCACCATCAA  
TATTATCTACTGGCAATGATTGAGGATCTTGATCTGTTTCTTCTTTGTCTTC

>trans\_c\_9228 NM\_121632|Arabidopsis thaliana SYN4 (SISTER CHROMATID COHESION 1 PROTEIN 4) (SYN4) mRNA, complete cds

AGAGGAAAATAATGGTGAAATTAACAACTCCATCAGATGGGTGAAGAAATGGGCAACGTAAGTACTCTATCTCCCTCGGATAATGGGTCATCAATTGATCGTTACCATAGATCTTCGAACTCTAG

>trans\_c\_9229 AY579882|Medicago truncatula AML5 mRNA, complete cds

GACTCTTTTCACGCCTCATCTGATGTTAGCTTGTTTTCCAGTTCATTGCCAGTCTTACCACATGAGAAATTGGATTTTGATTCTGAGCTTTGTCAATCTGATGGTGCTGTGAATAGGTTGCTTGAAC

>trans\_c\_9230 Novel Gene

AGGTGATCAAAAAGACCTAATTGATGATGAAGGATGATGATGGGGGTGGTTCTTATTTTTGTTTTAGCAAGGTTAGTAGATAGTTTTATACTAGAAAACTTGTAGTGATATACTATAAAAATAC

>trans\_c\_9231 XM\_002302292|Populus trichocarpa f-box family protein (FBL7), mRNA

CATGGGGACTCAGAGCCTGATTTTACCTCTGCTTTTGCTGCTTGCAAATCCTTAGTTTGTCTTCTGGATTCAAGGACATTTTGCCTGATTATCTACCTGTATCTATCCAGTTTGTGCTAATCTCA

>trans\_c\_9232 EF416131|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 041BT42M22-613.1 genomic sequence

GAGAACAACATCAACCGCAGGGATGAACGAAGAGAACCGAATGCCAGTGAGCGAGGAAGTGATGGTGGAA GGCTTCTTGCAGGCGACGCTGAGGATGGAATCGCACTGCCCCACGCCTCATGGGGTG

>trans\_c\_9233 GQ377424|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription factor 4 mRNA, complete cds

TAGGCCTTTTACTTTTGTGTTTCAGGTTCTGCCGTCGCCGACCACTGGGACTTTCCCGTCTCACTCGTTGAATTGG AAGAGCAATTTTGATATAATCAGCAGAACATTAAGGAAGAAAACAAATATT

>trans\_c\_9234 BT029737|Arabidopsis thaliana At5g17640 mRNA, complete cds

AGAGTCCGATCTGAAAGCATTACTGGCACCTGGCTGCTTCTACAACACCCATGCCTGTCTTGAAATATCTGTCT TCTCGGGAAGGAAGGGATCCCACTGTGGTGTGGGGCTGGGAATGATCAGCT

>trans\_c\_9235 XM\_002882637|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CYP77A6, mRNA

CGTTCATCTGATGCTGGCGAGGTTGGTTCAGGAATTTGAATGGAGTTCGTATCCGGCGAATAGCGAATTGGAT TTTACGAAGAAGTATGAATTTACTGTTGTGATGAAGAATTCTCTTAAAGCCATT

>trans\_c\_9236 Z11883|S.tuberosum U1snRNA variant genes U1-1, U1-2, U1-3, U1-4, U1-5 and U1-6

TAATACTACATTTATAACAACAGTGGGCAGGCCTTAAGCCCACACCCCTCTACGTGCAATGGAGGCCATGGG CCTAGGATATGGGCCTGCTTGATCACCAATATCCCCATCCCCGAAGTTCCT

>trans\_c\_9237 NM\_001052925|Oryza sativa Japonica Group Os02g0236200 (Os02g0236200) mRNA, complete cds



GGCCTTGCATATATTCATTCGGTTCCTGGGGTCTGCCATAGGGATGTGAAGCCTCAAATCTTTGGTCGATAC  
TCTAACTCATCAGGTAAAGATTTGCGACTTTCCTTCACGCTCCTGCTCAGCCG

>trans\_c\_9238 XM\_002319951|Populus trichocarpa ABC transporter family of the mitochondria  
family, mRNA

AGGTCGGAGGGGTTTGAAGCAGTTTAATGATATTTTGGTTCTGGGGAAGGAAGAGCAAAGAAAGGCCTCAA  
TTCCACGATATGGAGGACAATGAGCGAAATGGTGGGAACAATCACAAGGTTTCA

>trans\_c\_9239 X65974|N.tabacum mRNA for glutamate-1-semialdehyde aminotransferase

CTTCATTCTCCAAAACCCGATTTTCTAAATGCCATACGCAAACCTACCAAGGAAAATGACGCTCTCCTCATCTT  
TGACGAGGTCATGACTGGATTCCGATTGTCTTACGGTGGAGTGTCTTTGGCC

>trans\_c\_9240 FJ664262|Annona cherimola disproportionating enzyme 2 (DPE2) mRNA, complete  
cds

TGAATAAGATGGTGAATTTGGGATTGTTTTCTGGAGCCAAACGTGCTAAGTCGGTGAATGTGAGATTCAGATT  
GCCATACTATACTCATTGGGGTCAAAGCTTGGTAGTTTGTGGCTCTGATTCTT

>trans\_c\_9241 Novel Gene

TCAGGTAGTTTGTTTACCCAAGACCTTTCTACAAATGCTCGAGTAATATTCTCGTCTGTTACTAGCAGATTGACT  
GACATCCATGTTCTTCTTACTAAAGTTAACCGTGTGATACCGCACTGCTTT

>trans\_c\_9242 AJ289863|Nicotiana tabacum mRNA for microtubule-associated protein MAP65-1b  
(map65-1b gene)

ATCGTTGCTAATGCTTTTAGATTGCACACCAGTTGCATCATTTAAGCTTGGGTGAACCTCGGTTACAGTGGCAA  
AGAAATCAATTCCAAGGACAGCACACAGATCATGCACGGTGCTCACAAATTCA

>trans\_c\_9243 DQ296038|Arachis hypogaea chloroplast photosystem II 10 kDa protein mRNA,  
partial cds; nuclear gene for chloroplast product

AAACTACTATTGAGTGGTGGGAAGAAGATCAAGACCGACAAACCATACGGAATCAATGGTTCGATGAATTTG  
AGGGATGGAGTTGATGCATCGGGAAGGAAGCCCAAGGGAAAAAAGACACGTTGGC

>trans\_c\_9244 XM\_002882794|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TGGAGCTTGCTACCGGTGGATTTTCACAAGCTAACTTTTGGCTGAAGGAGGTTATGGATCTGTTACAGAGG  
GGTACTCCCAGATGGACAGGTGGTCGCTGTCAAGCAGCACAGCACGATCGACGA

>trans\_c\_9245 AY106693|Zea mays PCO126085 mRNA sequence

TCAACAGAGACTCAGTCTGGGAGCCATACCAAATTGGCAAACGAACTTGAAAACCATGTAGAAATACTCTA  
TATTAATAAACCAAACGCAAACTAAGATGGACTACGGAAAGAAAACAGGCAGA

>trans\_c\_9246 Novel Gene

TAAAGTGCCTTATTCATACTATCTATTATTGTTATTGAAGTGTATAAATATAAAATTGTACTCTATAAAAATAGA  
GGTTGAATATCGATCAATTTGAATATAGATGAATATACAATTATTGCCCCCT

>trans\_c\_9247 NM\_114732|Arabidopsis thaliana GSA2 (glutamate-1-semialdehyde 2,1-aminomutase 2); catalytic/ glutamate-1-semialdehyde 2,1-aminomutase/ pyridoxal phosphate bi> (GSA2) mRNA, complete cds

GGGCCTTCCTGATTCTCTGGTGTCCCCAAAGCAGCTACCTCCGAAACTCTTACTGCACCCTTCAATGATTTATC  
AGCTGTAGAATCCATTTTCAATGCTATGCCGAGAGAGATTGCTCGTCAATAG

>trans\_c\_9248 NM\_179963|Arabidopsis thaliana FAC1 (EMBRYONIC FACTOR1); AMP deaminase (FAC1) mRNA, complete cds

AAAGTGCTCCACACCGTGACTTTTACAATGTCAGGAAAGTCGATACTCATGTTCATCACTCTGCTTGCATGAAT  
CAGAAACATCTCTTAAGATTATAAAGTCCAAATTGAGAAAAGAGCCTGATGA

>trans\_c\_9249 XM\_002877544|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ALDH2B4, mRNA

ACTCAAATCTGATCAATGGCCAGTTTGTGATTCTGCATCCGGAACGTTTCCAACCTACGATCCTCGCAC  
TGGGGAAGTGATTGCTCATGTTGCCGAGGGTGATGCTGAGGATATCATGGGTG

>trans\_c\_9250 XM\_002314779|Populus trichocarpa white-brown-complex ABC transporter family, mRNA

CGGACTATGACATCGAGCTCGAGGACGGGGAGAAGGAAGATGGAGACATTGAACTCTGTGAAGAACCTCCA  
GCCTCCGGGAAAGTTATGCCGGTGACAATCCGGTGGTGCAATATCTCGTGCTCTCT

>trans\_c\_9251 EF415859|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 021BT23M43-408.5 mRNA sequence

AGTCAATGTTTGTAGCTCAGGAGATATTTTCCAGTTGGACACACAAAACGGATCACTTCCAGAGAATTCATTCT  
CGGACTGGTGTACCATTCAAGTCTATGCTATTCTTTGATGACGAGGACCGTAA

>trans\_c\_9252 EF107110|Prunus persica KNOPE4 mRNA, complete cds

CACCATTGTTTGAGGACAGAGGTGGTGTACCAGGGAGTTTTCAGCTCTCCTCTTCTCAGAATTTCTTCCCTT  
ATATCAACAATTTTCTCCTTGTAAACCGCTTTTAATTCGTGCTTCAGTTCTT

>trans\_c\_9253 AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF, atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

AAAACGCCCCGTGTAACCCGTCCTCTCGCCGCGCCATCTGGCGTACCTGTAGGCGGCGCCGTCGGCTTCATCTG  
CTTGAATGGTTACCATGAGTATTTTCGTAATTATTGGTGTGTAAAAAGTGATAGG

>trans\_c\_9254 AF389260|Nepenthes sp. Nickrent 3056 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CACGTTTGGCTGATCGAAGCCTTTTGATTTTTTTCGGGCTGTCTGCCGCGGACAGCGCGAACTTCGAAAGGG  
AATCGGGTTAAAATTCCTGAACCGGGACGTTTATTTTGACCCGTTTTGCCTCCA

>trans\_c\_9255 AY104581|Zea mays PCO117879 mRNA sequence

AGAGTACAAAAGGCAAAACCGATGCGTTCAAGGGTTTACGGAAGCATCTTTGGAGGAACTCGAACAAACAT  
TTCCTGATGAAGTTGAGTCTTATAGAGAAGCCTACATCAGAGAGTAGTAATCCTA

>trans\_c\_9256 X52385|Potato mRNA for starch phosphorylase

AAGGAAAGATTCTTCGACTGAAGCAACAGTATACTTTATGTTTCAGCATCTCTCCAGGATATAGTTGAACGCTTT  
GTGAGAAGATCTGGTGCAAACATAAAATGGGAAGAATTTCTGAGAACTGGTG

>trans\_c\_9257 BT002725|Arabidopsis thaliana At4g29790/F27B13\_30 gene, complete cds

TAAGGCAAGTTCTACACATCGTTCTCTGATTTCCAGGAACTCCTCGGTCACAACCAGCAGTAATGCAAGTTCTG  
ATCATGGTACATGTATTGCACTTGATACTGAAAAAGCCAGTTGTGGCACTTCA

>trans\_c\_9258 XM\_002871873|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phospholipase/carboxylesterase  
family protein, mRNA

TGGTTCTTTATAAATTTGGAGAGAAATCTTCAGAGGCATTACTTTCAAGTGGATTAAAGATGTTACGTTCAAA  
TCCTACAGCAGCCTTGGCCACTATACAGTGCCTGAAGAGATGGATGAGGTCTG

>trans\_c\_9259 AF367313|Arabidopsis thaliana AT5g04550/T32M21\_140 mRNA, complete cds

GAAGCAGCAGGAGGTTAAAAATTTGCGAGAGATGTCACTTTGGAAACGAACCTATGATTACACAATTCTTCTT  
CTAGCTAGATCCCTATTCACCATATTCAGTAGGATCAAACATGTATTTGAAATT

>trans\_c\_9260 GU177738|Linum usitatissimum tyrosine decarboxylase mRNA, partial cds

AAAGATTACCTTAAGAACTAGTGGTTTATGCATCTGATCAAACGCACTCTGCTTTACAAAAGGCATGCCAGAT  
TGGAGGCATTATCCTGAGAATTGCAGATAACCGGGGATTCTATTTTCTGTTG

>trans\_c\_9261 NM\_001057051|Oryza sativa Japonica Group Os03g0569900 (Os03g0569900)  
mRNA, partial cds

TGCGCATGTTGAATGGAACCCAAATTGGTGGGCAAACATTAGACTTTTCATGGGGTCGTAGTCCTTCTAACAA  
ACAGCCTCAGGCTGATCCTAATCAATGGAATGGAGGAGAGAGTGGAGGAGGAGA

>trans\_c\_9262 AF389268|Hydrastis canadensis 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAGGGAGAAACCCCTGGGAGCTGGCTGGCGGATTGCAATGTCACCTCGCGCGGGGATGAATCCTCTGCAGAC  
GACTGAAGTGACCAAGCGGGTCGTGTAAGTAACTGAGTACTTCCAGGTGTGTGTG

>trans\_c\_9263 BT029737|Arabidopsis thaliana At5g17640 mRNA, complete cds

TCCGTGTTCTGTGAAATTCGTCTTCGGGGTTTCCCTATGCAGACATCTTCAATCCCTCTAGTCCCGTCTCCTGA  
AGCAATACCTGACTCTCATGTCAATGCCTCAAGCTTCTAGAGGTCCTCTCTT

>trans\_c\_9264 NM\_122230|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing  
protein (AT5G23240) mRNA, complete cds

AATGGTGAGAAATGATGGTGCCGATGAATTGAAGGAACACGCTGCAGGTTCTATGGCTCTGGAGTTGGTTAA  
TAGTCACTGGATGCAGGTGATCCTAACAGGCGTCACTTGGTATATCATTGGTTAC

>trans\_c\_9265 Novel Gene

GGCCGTAACTCACCGTCGACTCCTTCGACGCCGAGTTCTTCTCCTTCTCCGTTTGCTCTTTCGACGAATCCTAT  
TTCTATTTGAGGCAGAGTTCTTCTTCTTCGGTTGGGGATTAGTCTTCCT

>trans\_c\_9266 Z11512|*L.luteus* genes for 5S and 18S ribosomal RNA

CGTGATGACTAGATGTAATGCCTCACAAACCAACCTGAAATACAACGAGCGAAACCCTCGTTTTGTGTTGCTG  
AGACATGCGCCTAAGGATCAAGAGAAACGTTGGCTTCAAGCGGCTCCTCGGAGA

>trans\_c\_9267 Novel Gene

TCAGCTCGATTTGGGGAGTTCTTGATCATTCTCCAGCTGAGATTGACCTGGATATCCTCGTTGCGTCAGTTCA  
AGTTCATCTCCAATCTGGTAAATACCCTCTTGCTCTTTTTCTTGTTTGGGTAA

>trans\_c\_9268 GU810492|*Byblis aquatica* voucher BaquKF01 sequence-type AQU1 5S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; and 5S ribosomal RNA nontranscribed spacer genomic sequence

GGCTTTGCTGAGAAGAGGCGTCCCGGATACATCCAATATCTCTGCTCGTCGAGTTGGGTGACCACTTGGGAAG  
TCCTCGTGTGACCCCTTTTTGCCCTCTCAAGCTAGGACCGAGTTTCGTGGTA

>trans\_c\_9269 NM\_001070155|*Oryza sativa* Japonica Group Os09g0508200 (Os09g0508200)  
mRNA, complete cds

TATTGTGACACCTGCTCCAACAACACCTTCTCCAAACACAGTTACTTCTTATCAGGTGCAGAAGTTCGAATCGA  
CTGCAAGCCGGGGATGAGGGTATTACGTACAATAAGATGAGCGATATAGACAG

>trans\_c\_9270 AL161536|*Arabidopsis thaliana* DNA chromosome 4, contig fragment No. 36

GCTTGAAGAGTTAACAGTCTCATGTTGCGTTACAAGATTACTTTTTACAATCTCAGTCTGTTGTAATTTAAGTTT  
TGCGGGGTGAAGCATTCAAATTGATTTGTCATGTAATGAGTTATATGGCGC

>trans\_c\_9271 NM\_001188920|*Oryza sativa* Japonica Group Os09g0427800 (Os09g0427800)  
mRNA, complete cds

TGCCTCGGCTGTCACGCGGCCAAGGCGGGAGACAAAGGACCACTCAATTCATCAGCAAAGTGTTCATATGAT  
GGTGGTGTACTCTCATGCTCACGATGAACCGGTGCAGATGAAGCTAATGCAATTG

>trans\_c\_9272 AB359915|*Solanum lycopersicum* LeGAD3 mRNA for glutamate decarboxylase  
isoform3, complete cds

AGAGGGGGCAGCAGAACAGAAGGAAGGCTGAAGGCAAGCCCTATGACAAGCCCAACATTGTCACTGGTGCT  
AATGTCCAGGTATGCTGGGAGAAATTTGCAAGTTGTAAAAAAGCCTCCCAGTCTTC

>trans\_c\_9273 NM\_119056|*Arabidopsis thaliana* 6-phosphogluconate dehydrogenase NAD-binding  
domain-containing protein (AT4G29120) mRNA, complete cds

TGATGATGATGATGATGATGATGATTAATCATGTAAAGATCCAACGGTCACAAATGAGACACGACCAAACCC  
ATCCGATAAAAGAAATTAAAGGCCCAAAACCAAATACACCAGATTAATAAGAAA

>trans\_c\_9274 Novel Gene

TGAGAATTCCGAGACTAAAGAGCTTCCACGGCGGCCTCGTCCCGATTCTACGGTCAAGATCCGAGATTCTCA  
CTCTGATGAATGAAAGGGAGAAAGCTCATAACGTAGTCTAGAGAGGGAGATAAG

>trans\_c\_9275 HM991263|Pistacia vera NADH dehydrogenase subunit 2 (ND2) mRNA, partial cds; chloroplast

GAAAGTAGCTGCTTTAGCTTTAGCCACTCGAATTTTCGATATCTTCCCCGCCCTCTGCTGGGTAGGCAATGCT  
CCTCCTCAAAAATCCTAGCTATCTCCGATGCGATATTGGGGAATCTCATTGCT

>trans\_c\_9276 AY104014|Zea mays PCO103489 mRNA sequence

TGGTGCTTCCATGACAGAGATATAGCCCCAGATGCACCTACTTTGGAGGAACTAATGCAAACCTTCGATGAAG  
TGGTGGCTGTTGCTAAAGAGCTTCAGGGAACTAAACGGCCCAAGAGTGTTTGGC

>trans\_c\_9277 XM\_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

CAAGGTTACGCCCAGCGTATTGTACCATTATCCCAGTATCTCTTGGATCCTCAAACCTCAAGCTCAACAGCCTA  
GGTTGCTGGCAACTTTGGCACTTGGTGATTGTTCCTATTGACCCGAAACCG

>trans\_c\_9278 AY098976|Arabidopsis thaliana AT5g54540/MRB17\_4 mRNA, complete cds

AGAGGAATTGAGTTTTGGAGGATATGGAGGGGAATGGAATGGGGTTTGTGAAATATTTGTGTATTTAATTTG  
GAAACTTGAGATGAGTATATGTAATGGTTGGTTTGTGTTGGATATGGAAATGGGA

>trans\_c\_9279 NM\_001052868|Oryza sativa Japonica Group Os02g0224200 (Os02g0224200)  
mRNA, complete cds

AGTAAGCTGGAGCAGTTGAATCTTACTCCCGCATGTCATCCTGAATACCAATACAAGACTGAATTCAGAGTC  
ACGAACCTGAGTTTGATTACTTGAAGAGTTTGGAGACCCTTTCTCCTCGTTAT

>trans\_c\_9280 BT008494|Arabidopsis thaliana At1g11650 gene, complete cds

GAAAAACAACCTGAGTGAGCACTTGAGACAAGTATTCAGTCAGTATGGAGAGCTGGTGCATGTTAAGATTCTT  
GCAGGCAAGCGATGTGGCTTTGTTCAATTTTCAGACAGAAGCTGCGCCGAGTCCT

>trans\_c\_9281 D85610|Spinacia oleracea mRNA for ATP-dependent protease Lon, complete cds

GAGATGATGCTGATGCACCGGCAATTGTCCCTGTGTTATCTCAAGGTGTGGGAAGTGATTCTGGAGATCGTA  
GCTCGAGGGTTCAATCTGGAACCTCCGACTCACAAAGAGTAGATGGGAAAAATCA

>trans\_c\_9282 AF069324|Mesembryanthemum crystallinum 26S proteasome regulatory subunit  
S5A mRNA, complete cds

CGTACGTACCCAGTATCTTGCCCAGGTCAGTGGTGGGCGTAACCAGCACACGAACACCTTTTCCCGCCATTGT  
GAGAACCCCAACCGTGTTCTCTGGATTAGACTGCGTCTTAGCTCCACAAATAAG

>trans\_c\_9283 Novel Gene

GCCGGCTTGAAATATTTGATCTTAGGTGCATTTTCCTCTGGAATCTTACTGTTTGGTTGTTCCATGATCTATGGG  
TCTACTGGAGCTACCCACTTCGATCAATTAGCCAAGATTTTGAAGTGGATACG

>trans\_c\_9284 XM\_002893096|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1507, mRNA

GGGGTGGATATAGCTAATTTTGAAGCCAGAATGCAGGCAATGACGAAACCAACATACACTGCTATCGTTCAG  
CATGCAAAGAATGGGAAACCTGCTATTGTCTTTGTTCCAACGAGAAAACTCCAGT

>trans\_c\_9285 Novel Gene

GCCCAAAGTAGGTCTTGTGCTGCTACTCAAAGTTAAAAGTTGTGGTCATCGACTGCTTTTTATCGCCGAATTCC  
TCTATTGAATCTTTTAAATGATGGTATAATTATAATCGTCTGAAACATAGACC

>trans\_c\_9286 AF152609|Pellia neesiana 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast  
gene for chloroplast product

TTGTGTGACACCCACCTTCCTCCAGTTTATCACTGGCAGTCTCCTTTGAGTTCCCGGCCGGACCGCTGGCAAC  
AAAGGATAAGGGTTGCGCTCGTTGCGGGACTTAACCCAACACCTTACGGCACG

>trans\_c\_9287 AF104454|Brassica juncea catalase (CAT4) mRNA, complete cds

TCACAGTGGAAGTATTTTTGTTTGATAATTTGCTTTAACAATAAGCATCTTCTTCGGCTTCAAACGATCGGAGG  
AGGAAATTCAGAGTGGAGCAATTGTACTGTTTCTTTTGATTCTGGTGAAGAG

>trans\_c\_9288 NM\_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

TGGGACTGCAAATGACTGGGATGATTATTCAAGATACACAAATTCAGATGGGGTTGAAATGACTTCTGGAGTC  
TATGGAGACAATGGATCTCTTATGTATCACCACGTGCGCATCGCATAGTGGATA

>trans\_c\_9289 AB014076|Brassica napus mRNA for serine decarboxylase, complete cds

TGTCGGCTCTTCCCTTTGGGAGATTGAGAAGAATGAGTACTGGGGATATATTACGAATTGTGGTACGGAAGG  
CAATCTTCATGGGATTCTCGTCGGGAGAGAAGTTTTGTCCCTCTTATACCCCAAC

>trans\_c\_9290 FJ234420|Tulipa gesneriana tonoplast intrinsic protein (TIP1) mRNA, complete cds

TGCTGATAGACCGAAGCTTCCGGTGGGCAAGCCGGTGACGAATTTAAGGAGCAAGCAAGCGACAACGGATC  
CGAGGAGTTGAGCAATCCAGTAGATGATACCACGTACCTCCCACTACAAACCGCCA

>trans\_c\_9291 AY874412|Prunus persica beta-galactosidase mRNA, complete cds

TAACCATGTCTAATCATACCATATTCATCGAGTGGCGCATCGTAGTCATAACTAGTTGTAATGAATGGGCCTCC  
AGCAGTGCGTCCAAAGTTGGTTCTCTCCGTGATACATGTAATAGTTAAAAAGT

>trans\_c\_9292 NM\_125037|Arabidopsis thaliana AGP14 (ARABINOGLACTAN PROTEIN 14) (AGP14)  
mRNA, complete cds

AAGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTGAAAGCTCCAGCTCCAAGCCCAGCTTCTGATGCCTCTCTTTCTATTCCAA  
CGTTAATGGCTTCTTTTGTTCCTCTCTTTTGGATTGGGGGGTGCTCCCGCC

>trans\_c\_9293 NM\_001063720|Oryza sativa Japonica Group Os06g0223800 (Os06g0223800)  
mRNA, complete cds

CCCGGAAGAGAGCTAGAAAAGGTGCTCCTGGGCGATCAGGAATTGGTTTTAATAAATCAACAAGAGCTGGAA  
TTGCTTTCCGAGAAGTAGCACCAGTCCTTATGTCATCTACCCGAAACAATCTCT

>trans\_c\_9294 AY149944|Arabidopsis thaliana At1g13640/F21F23\_7 mRNA, complete cds

TGTGTTACGAACATCCCATCCCAAGGACACAACCGGTGTCGGTTTGCACAAAGACTCTTCTCCTCCCTGTAGGC  
TGTTTTCTTCCATCCTCTTGCTCCCGCCATACTCTCCACTGAGTGGACTCT

>trans\_c\_9295 GU065693|Populus trichocarpa gamma class glutathione transferase EF1Bgamma1 mRNA, complete cds

CAGCGACTAAGGACAACGTGCAACATAACGGGCTATGGCATTACTCTCGAATATGGGTCCGTTGGGCGTTTCT  
AAAACAGGAACCTTCCCAATAGGGTTCATCTTGATAAACTCCGGAGTCTTGTT

>trans\_c\_9296 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

CAACACCATTTGCAACCTCCCGTATTATCATGGAATTTGTACATTCCTCTCCTTAAGGTTCTTGAATATCTTCCAC  
GAGGTAGCCCGTCTGAAGCATGTCTTATGAAGATATTTGTTGCTACACACC

>trans\_c\_9297 AF043089|Hordeum vulgare dehydrin 3 (dhn3) gene, complete cds

CGTAGAATCCCAATATATTCTGCTGCAGGAACTGACGTGGCAGTGGAGGAGTCAGATTCACCGGTTTCTGGTG  
AAGAATCAACTCAAAATTCAGAACTCCGCTCTCCGCTCAGCGTTGTTTACTT

>trans\_c\_9298 FM242173|Cabomba sp. NY401 partial matR gene for maturase R, isolate NY-401

GTACACTATCATTCTCACGCGTAAATTGGTCCGCGGGCATCGCTATCAGTCTTCTGTCCTACTACAGGTGCTGC  
GACAACCTTTATCAAGTCCGAAGGATTGTCGACCACCAGATCCATCAACTAT

>trans\_c\_9299 NM\_001058592|Oryza sativa Japonica Group Os04g0118400 (Os04g0118400)  
mRNA, complete cds

AAGAAGGTGCATTGGCGGAAGAGAACATGAGAGGCATCTGTTTTGAAGTTTGTGATGTGGTGCTTCACGCTG  
ATGCCATCCACAGAGGAGGTGGTCAAGTCATTCCTACTGCGTCCCTAACGGGGA

>trans\_c\_9300 DQ672547|Anagallis monelli isolate NAQ 27A genomic sequence

TCATTTCCCCCTCTATCGCTCTCAGGAACCCATGATAATGGGAGTTGCAGACAATCAACATGGCATCATTTTCTAG  
ACCGCCCGTCTGCTATTTCTTTCATTGGTCACTCATCGGGGCTGGCTCTT

>trans\_c\_9301 CP001331|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13, complete sequence

TCTCCGACGACATGCCGCAAGGCGTAGTGGGGACTAGCGGGATTCTGAACCCGCAGGACTTATGAACTGTCCC  
GCCACGAGACTGGTTATGAACTACAATCCCTGTTCTATCAGGTAGGTGGTCCCCG

>trans\_c\_9302 X86563|Zea mays complete chloroplast genome

TCTCCGACGACATGCCGCAAGGCGTAGTGGGGACTAGCGGGATTCTGAACCGCGTCACAGGGCACTGACAGG  
GCGGTGCTCTGACCAATTGAACTACAATCCCTGTCTGCTCCTTCCTCTTCCCTC

>trans\_c\_9303 D55647|Cucurbita pepo mRNA for catalase (cat3), complete cds

TCCACCGCCATGGATCCTTACAAGTACCGCCCATCAAGTGCGTACAACACCCCATTCTGCACCACAACTCCGG  
CGCACCGATATGGAACAACACCGCCGTAATGTCCGTCGGACTTGCGCCGGGG

>trans\_c\_9304 FJ708791|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

CGAACGGAAGATTGGATACAAGTACAGTGGAAGATATTTTCGTGATAGGATGATGAGATCTGATGATAGGA  
TAGAGATACTTAATATAAAACACTGCAATGACTCTATAATGCAATCTCACGCGA

>trans\_c\_9305 XM\_002959628|Volvox carteri f. nagariensis phosphoenolpyruvate carboxykinase (pck2), mRNA

GGGTCGCGTCGCTCTATGATGAAGGGGCCTTTTATTATGGATCCTTTGATGTCCTTCTGAATGTCCTGATCATG  
AGAGGTCGAGACGCGTCACCGAGGTTGAACCTTCTGTTCCAAATGATCTCAC

>trans\_c\_9306 BT028941|Arabidopsis thaliana At2g37510 mRNA, complete cds

AAGGAGTGTAAGATTATGTATCCCTATCTGAGACTTATCCCGCTCATCTGCGTATGTCGTAGACCCGAAACCGT  
GTGATCTACCGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGTGTGAGTGTG

>trans\_c\_9307 AF188678|Pisum sativum P72 DEAD box protein mRNA, complete cds

GGAGTGGAGGATTATGTCCATAGGATTGGTCGAACTGGAAGAGCAGGTGCTACCGGCATTGCTTACACATTT  
TTCGGTGAGCAGGATGCAAAGTATGCTTCAGATCTGCCTTGGTGGTGAATGGT

>trans\_c\_9308 FJ497025|Triticum aestivum pollen-specific protein (PSG719) gene, promoter region  
and complete cds

AGGATTCAACTTCTCCTTTACATGTTTTATTCCGGAGGAGTGCTTGTTTGGAAATTCGCTTTTCTATTGTTATCT  
AGGTATTTCTTAGCCTTTTATCATCACCACACTCTGGAAAGAGAGAGAAG

>trans\_c\_9309 AM981117|Cucumis melo subsp. melo ITS1, 5.8S rRNA gene and ITS2, specimen  
voucher personal collection:25ae046

GGGCGGGGGGAAGCATGCTCTTTGGCTGCCTCCTCCCTTCCAACGCGTTTAAACAAAACCCCGGCGCAGGTC  
GCGCCAAGGAACTTGAAATGAATTCGCCTGTCCCTCGGGGGGCCTAAAACAA

>trans\_c\_9310 NM\_001060001|Oryza sativa Japonica Group Os04g0545200 (Os04g0545200)  
mRNA, complete cds

CCCGCAGCTGTGACTGGGGACTTTGAAACCATTTTCTCAACGGAAGCGAACTGATCCATCAGAACTGAGTGGG  
TCGTGGAAGGTGTTTGAAGTAAGCGGAACTCCCGCCCCACACTTCTCTCACC

>trans\_c\_9311 NM\_121383|Arabidopsis thaliana hydrolase, alpha/beta fold family protein  
(AT5G13800) mRNA, complete cds

GTGTTCCGAATGACCTGTTCGATGAAATAGCGAACTTGATCCTGCCATAAATCAATAGAGTAGACAAGCTCA  
GATGCCCATGGTTCAGTCTTATCTCCAAAACCCCAAGAAGAATCTTTCCCATC

>trans\_c\_9312 XM\_002324613|Populus trichocarpa equilibrative nucleoside transporter, mRNA

AAAACCAGCCTAGAACGGAGCCACCGACCAACCCAATGCCCAGGAACACAACCATTACAATGGCAGACAACCT  
CTGCCTCTGATGCAGGTAATAACTGGGAGTACTGATCATGATAACACTTGTC

>trans\_c\_9313 Novel Gene

TGACTCATTCCAAGGAGAAAAATCATCAGACCCATGATCCCGGTATCTAAGACATGAAATCCCACTCTGCAA  
GAAAGAGAAAGAATGAAATGGGGGACTCGGGCCCTACTAGTTCGGTTACCGAC



>trans\_c\_9314 GU799537|Melancium campestre voucher G.F. Pabst et al. 8741 (M) ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcl) gene, partial cds; chloroplast

AAGGAACCTCACCGTCTAACATGTTTACTTCCATTGTGGGTAATGTATTTGGATTCAAGGCTCTACGTGCTCTA  
CGTCTGGAGAGCCCATAGGCTTTCGTTATCATATATAAACTTTCACCTTTT

>trans\_c\_9315 Novel Gene

ATGATCATAGTATGATGGCAGTCGGGCAAGTATGCCCCATCGGAGCTGTTGAACTTCACGAGAGAGGGACC  
TTCTTACTATTTTCGGATCAGGAAAAGTTTTTGCAACATAAGGTTAATGCACTA

>trans\_c\_9316 AF134552|Oryza sativa subsp. indica serine/threonine protein phosphatase PP2A-2 catalytic subunit (Pp2A) gene, complete cds

ACTGCAGAAATAATGACCTTGGACTGAGATTGGAAGAAACGTTGGTAAAGTTGGGAGCTGTGCAAACGAACA  
ATTTAGAACTCATGAATTCCTTGGAAAAGTCACAAAGTGAGGCTGAAAACCTATT

>trans\_c\_9317 XM\_002894487|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-protein ligase 1 (UPL1), mRNA

CAGATCATATTTTAACCAATGCTATCCGTCCTCAAATTAACCTATTTCTAGATGGTTTCAATGAGTTGGTGCCAC  
GAGAACTTATTTCTATTTTAAACGACAAGGAGCTTGAGTTACTCATCAGTG

>trans\_c\_9318 GQ998095|Cornus florida voucher FLAS:M.J. Moore 328 cytochrome b6 protein (petB) gene, complete cds; chloroplast

AAAAAATAGGTAAATAGAAGATTCAAGAGGCCCTAATGATCAATATAACTATGAATGAGCCGACTTGATATT  
TGGGCATTATAACTACAAAGAAGACTTTTCGGAAGGGGCGGAGGGATGCGAGG

>trans\_c\_9319 EU161330|Microstrobos fitzgeraldii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGGTGTCAGAAAAGTTACCACAGGGATAACTGGCTTGTGGGCAAAGGATGAGGAAATTAAGTCAACAAAAT  
GATCGATATATTTCTGTGATTACTTTGGTATTTAAGTCTCTGATGCTTTATCTCA

>trans\_c\_9320 XM\_002885872|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CBS domain-containing protein, mRNA

AAAGGGGGGAGAGCTGACACACGATGAAACCACTATTATTGCTGGAGCCCTTGAAGTGAAGTGAAGACAG  
CTGGTGATGCCATGACTCCAATATCTGAGACGTTTGCTATTGACATCAATGCGAA

>trans\_c\_9321 X80170|O.berteriana rpl2 gene

CTATTTAGGGTAAACTATACCGCTACCCTTGGGAAAGCAAAAGAGCTACCGAAGGAAAGGGATGCTGTCTC  
TCCCTTGGTCTTTTGAGAGGAGAAGGCGGAGAAGAAAAGGTCCTTCGCGCAAGT

>trans\_c\_9322 NM\_001053982|Oryza sativa Japonica Group Os02g0618100 (Os02g0618100) mRNA, partial cds

TGCAGTTCATACCGCTGCAAACTAAAATGATTCTCACATCCATAATTCCTGTATATATTGCTTGCTACTCTTTGG  
CAGGAAGTTGTTATGTGCCATTTCAAGCATAGCGCCTTGGCCGTACAGCAG

>trans\_c\_9323 XM\_002325386|Populus trichocarpa tubulin alpha-8 chain (TUA8), mRNA

TACCCATCCCCTCAGGTTTCAACTGCTGTCGTGGAGCCTTACAACAGCGTTCTTTCTACCCATTCTCTTCTTGAG  
CATACGGATGTTGCTGTTCTTCTAGACAATGAAGCTATATACGACGCCCAC

>trans\_c\_9324 DQ469474|Phaseolus vulgaris microsatellite SSR-IAC77 sequence

GATGGGCTCGATCCACGGCGAGTGTAATCGACTTTGTTCTTCTGATGGTGGGAAGCGGATCCCTAAACAAATGA  
ACAGATGGCGACTTCTTCTTACTTTTCAAGGAACACACACACACACACAC

>trans\_c\_9325 NM\_100323|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT1G04430) mRNA, complete cds

AAAGTTCGATAAATGACGAGGGGAAGATCTGATGGGACACAGAAGAAGCGCTTAATCGCCACCATATGTGTT  
GTGGCAATATTTCTTGGGTTTCTGTACGCATGTATATTCGTTGCCCCCAACAAC

>trans\_c\_9326 BT025248|Arabidopsis thaliana At4g32460 mRNA, complete cds

TCTGGGCTATCATATCCGAGTTCCCGGCGACTAACTCGACGGCGCGTTTCCCGCTCGGAACGGAGAAATGGTC  
GGAATCGATGTATTTGACGGCCTTGAGAGATTCAACCATCCAGCCGGGGATCG

>trans\_c\_9327 AF036502|Mitella pentandra large subunit 26S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

TCTCCGACGACATGCCGCAAGGCGTAGTGGGGACTAGCGGGATTCTGAACCCGCAGTCAGGCGTCCAGTGAAA  
TAACATCTCAGTTGGCTGAACTACAATCCCGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATC

>trans\_c\_9328 EF185281|Trepocarpus aethusae voucher Thomas & Allen 124008 (MO) PsbI (psbI)  
gene, partial cds; PsbK (psbK) gene, complete cds; tRNA-Gln (trnQ) gene, complete sequence; and  
Rps16 (rps16) gene, complete cds; chloroplast

CTCCAAGAGATTGTGTAATGCTTACTCTCAAACCTATTTGTTTATACAGTAGTAATATTCTTTGTTTCTCTCTTCAT  
TTTCGGATTCTATCTAATGACCCGGGACGTAGCTTAAATACAGGAGGC

>trans\_c\_9329 NM\_001062465|Oryza sativa Japonica Group Os05g0495300 (Os05g0495300)  
mRNA, partial cds

TCTAGTCGGCACCTTTTTTCGAAAAGGCTAATCTGCAACACTAAACGACGACAATCTAGCACGAGCAATGGGG  
CTATCACCGTCATGGAGATAATAAGAGTAGCCCGGGGTGCATCGTCATAGGC

>trans\_c\_9330 X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

TGAGGGGGGTATGAAGCGTGGAAGAAGTGAAGAAGTGATGATACAAGAGGTAACCTTAAGTCAGGAGT  
GGCGGCAAAGCTCTTGATTGATCAACGCGAGTGAAGTGTGCTTAGACGCTTCGTA

>trans\_c\_9331 GU393308|Vitis pseudoreticulata DRE transcription factor 1 mRNA, complete cds

CCCTGGAAAACACAGACCTCTGGCTTATGAGATTGGATCTGTTGGATCTGAAAAGGGGTAAAGTAATTAAGTC  
CAATAGAAGGTGATTGCTCTACGCCACGGAAATCTTGACCCGAAAACCCATCG

>trans\_c\_9332 AJ849613|Salix babylonica chloroplast partial psbM-trnD IGS and tRNA-Asp gene

CGTTCTAAACCCCAAAACCCCAACCATATGGCGGGACTGACGGGACTCGAACCCGCAGTCAGGCGTCTGACA  
GGGCGGTGCTCTGACCAATTGAACTACAATCCCCCAAGTTCGGGATGGATTGG

>trans\_c\_9333 Novel Gene

AGTATCACATATCAAAACGATACAAAAGAGAGATCGCTACCACCTATACTAGTTGAGAAGCCTTCAATTATATA  
GTGCAGAATAGAGGAATAAATGATTAAAATTGAATAATCTGTTAATCAAGTA

>trans\_c\_9334 AF147783|Lycopersicon esculentum whitefly-induced gp91-phox (Wfi1) gene,  
complete cds

TAAAGCCATTAATGAACATGGCGTAATGATAGTCATAGTATGGATATTATATTGTCAGGAAGACTATTTTACCT  
CTTCTTTATTTCTTTGTTTTTTACAATACAAATAGGAGCGGTATTCGGCGGA

>trans\_c\_9335 Novel Gene

CATTGATGTTACTCAGGCGGAGCTTGTTCCCATCTAACTGGAGACGCCAGGAGAGGACTGAGATGGTTGG  
AAATTGGAAGGCAAAAATATATGATATGCTTCACGTGATGGTGAGTGTGAAGTC

>trans\_c\_9336 AB261674|Fuirena umbellata genes for 18S rRNA, ITS1, 5.8S rRNA, ITS2, 26S rRNA,  
partial and complete sequence, specimen\_voucher: OKAY:Hirahara & Yano 19320

CATCATACTTATCGGCCATGGAGTAATGGAGATCGGAAGCAGTGCCAGAGACGACAGAGGTCAAGGCAGTG  
ACGATTACAGAGAGCTCTTGATCAGTGGAATACAAGGGCCTTTAGGGGGGGGG

>trans\_c\_9337 Novel Gene

GGGAAAGTTGCCTCGGAGATTTCTCCTGTTTTCTTCTATATTATCTAACCGAACTGAACTAATGTAAAATAAC  
AAAATCGAACTCAAAATAGAATTACAAATTCAGAGATCCGCCCTACTACTG

>trans\_c\_9338 XM\_002893444|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata autoinhibited Ca<sup>2+</sup>-ATPase 1  
(ACA1), mRNA

CCATTGTTGACGGCCGTGACGTGAAGAAGTTGAAGATTCATGGGGGCGCTGAGGGTATTGCAACTAAGCTCG  
CCACATCGAAGGAGACAGGCATTCTACTACAGACACGGGTCGACAGAACTCC

>trans\_c\_9339 Z29112|L.esculentum 7S RNA for signal recognition particle 7S RNA(variant A)

CAAGCGAGCTGTTTGTTGAAAACCTGAAAAAAGTGGTTGTTGGGCTGAGAACTACCCACAGAGTATTTGAC  
GGGCCACCAAGAAACGACCTGTTATCCTTCCACCGACAAGAGCGGGAGGTGACG

>trans\_c\_9340 HM131606|Gossypium hirsutum receptor kinase (grk5) mRNA, complete cds

GAGATGCTCTACATGAACACAAATCCCAAACCTTTATCTGATTGGTCCAAACGACTTGACATTGCTGTTGGAGCA  
GCCCCAAGGATTAGCTTACTTACACCATGATTGTGTTCTCCAATAATCCATC

>trans\_c\_9341 X03710|Antirrhinum majus chs gene for chalcone synthase

AGAAGCCCTGTCTGGGACAGAGGAGGAGCAACCCATGGCGATAAAGGGTATGTAAAAATAAGCGATCCAAG  
TAATTGGTTTGTGATTAACTTTCGTAGAGTCTGTGCAGAAATTGGAGAATTCTG

>trans\_c\_9342 AB277195|Ipomoea nil PnF20-11 mRNA, similar to eukaryotic initiation factor eIF-4 gamma sequence

CCCGAAGATATCTTGAAAGTCAAACCTAGAAGTTGAGTCTGAGATAGGTGGGGAGGATCAAACATGGAACCGT  
GCTGAAAGCAATCCGCAACCACAATCTCAAAGCCGTTACTTTGAGCCAGACAGT

>trans\_c\_9343 EF595953|Mukia javonica isolate 2007-B46 tRNA-Gly (trnG) gene, partial sequence; chloroplast

GTTATGGATGGTATTTTTTTTTGTTTACATCTGCGCCCGGGCTTTTAAATAGGTAGAAGGTATTCCTCGGCTTA  
CTTTGGTTTCAAAGTGCAAGCCAAAACCTAAAGGAAGGCCACCCCCAAAAC

>trans\_c\_9344 AF134732|Prunus armeniaca 60S ribosomal protein L1 mRNA, complete cds

TCAAACCTCCGCCGAGTCATGGGGTACTGGACGAGCTGTTTCTCGTATCCCTCGTGTTCTGGTGGCGGTACTC  
ACCGTGCTGGTCAAGGAGCTTTCGGAAACATGTGTCGTGCTCACGCACGCAA

>trans\_c\_9345 GQ997479|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333  
NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 4 protein (ndhD) gene, complete cds; chloroplast

TCCCCACCATACCAAAAAAGACTATTAATTCTGCAACAAAACCGCTCATACCAGGCAATGCAAGGGAAGCCAT  
CGATAAGATACTGAAAGTCATAAATATTTTTGGAATTGGGATAGCCAGTCCTC

>trans\_c\_9346 AY786410|Haematococcus pluvialis IPP isomerase (ipp1) gene, 5' flanking region  
and 5' UTR

AACCACAAGGGCAAAGGGAGGAAGAGATGAAGAAAGAGGAGTCATCGGAAACAGGGGAGATCGGAGTTCC  
GAGTACCGTTTGTCTTTAACGCCGTCTTGTTGGGCGACCACCCCCTGGTGTCCA

>trans\_c\_9347 NM\_116211|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein (AT3G63460) mRNA,  
complete cds

CGTACCTCTTTTATTGGCTGTATTTAAGTTTGTCTGCTTTGTTTCTCTACCTGTTGGAATAAGAGGAAGTTATT  
GCTTTGCTTGATGTTTTGACCTTGCCCTTCATCATTTTTTTCTTTTAAA

>trans\_c\_9348 NM\_001125634|Arabidopsis thaliana AtGLDP1 (Arabidopsis thaliana glycine  
decarboxylase P-protein 1); catalytic/ glycine dehydrogenase (decarboxylating)/ pyridoxa>  
(AtGLDP1) mRNA, complete cds

GGAGTTGGTGGGAGGTGGAGAGAGATTTTATAACGAAATGGAATATGTGGCGTTTGATGGACTGTTTGAACA  
TTCCGATGTGTACTCTGTTTTTTCGTGACGGCGATGGAAGTGAATAACGCTTAT

>trans\_c\_9349 EU673811|Bahioopsis reticulata isolate Bah2 locus 2213 genomic sequence

CCCTCCCTCTTCTAGATTTTCTTCTACCTTGTTGTTGTTCTTCTTCCAAAAGCCATTCTTATATTTCCCAAGCTCG  
AGCCCTTAGCCGTTCTAAGCTTGATCGCGCCGCTGGGAGGTTATTCTC

>trans\_c\_9350 AB112604|Humulus lupulus chloroplast DNA, downstream region of trnD, North  
American wild, haplotype:NA3

ATACACCTGTCGACTATGTTTTTACGTATATTATAAGTAAAAAGGCGGTCGGAAGTGAACAGTGCAGT  
AGCAATAAATGCGAGAATATTTACTTCCATAATATCATCGTTTCAATTGTAA

>trans\_c\_9351 AB024702|Oryza sativa Japonica Group S-trn-l pseudogene for S-type thioredoxin,  
partial sequence

TTGGTAAGCGCTCTAATCTCTATGCTAGCAGGAGGTACGATAGGGCGTATATTTGTAGCCATGAATGCTGACC  
TCTTCCCCACCGAACTCAATAACTAGCCTTAAACCCCGACGCTTCTGATATA

>trans\_c\_9352 GU227147|Triticum aestivum CHY-type zinc finger protein mRNA, complete cds

CATGCCCTGTTTGCTCAAAATCCTATTGCGATATGACGAGCGTGTGGGAGAACTCGATCACGAGGTTGCATC  
AACACCGATGCCACAAATGTACCAAGATAAAATGTGGGTGATTCAAACGTTGC

>trans\_c\_9353 GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

GAGCATCAAATTCAGATGAAGAGTTGGGTAGCACTTCAGTGAAAGGATTAGCAAGCTTCTCAATAGATGCTTC  
CGATTTGGCCAACTTACTCACAATGAACAGACATATAGGATTCAGCTGTTGTG

>trans\_c\_9354 NM\_113129|Arabidopsis thaliana PMH1 (PUTATIVE MITOCHONDRIAL RNA HELICASE  
1); ATP-dependent helicase/ DNA binding / RNA binding (PMH1) mRNA, complete cds

AAGGCCGAAGAGGGGAAAGGTTTCATCTTAAACTATCCCGAAATTACCTAACCAATCCATTAACCATTGATCT  
TGTTGGAGATTCTGATCAGAAATTGGCAGATGGAAAATCAAATCAAAGACCCA

>trans\_c\_9355 AB052228|Cucumis melo var. reticulatus Cm-ETR1 mRNA for ethylene receptor,  
complete cds

GGAGCTGGTTGAAGTTGTTGCTGACCAGGTAGCAGTAGCTCTTTCTCATGCTGCAATCTTAGAAGAGTCGATG  
AGGGCTAGAGATCTCTTAATGGAGCAGAACGTTGCTCTTGATCTTGCCAGGAG

>trans\_c\_9356 XM\_002863253|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 1, mRNA

AGTCGCTCTTAGTCGGGGTAAAGTCCTAGAAGTTGCTATAGAAATGAACAAGAACAATAAGTTTTCGCTAAT  
GTAATAAAGATACTAATTGTCATTCCAAAGACTTCATACACCCCGTGCCAG

>trans\_c\_9357 Novel Gene

TATCTATGTCATATGTTATTTCTAGACACTATTTAGTCTAATTATTTTCATGCTTTCATCCATGTGTGACGTTGTT  
AATGTCGAACTGAAGCATTGATAGATAATAATATCTTGGGTTCAGTTT

>trans\_c\_9358 XM\_002881610|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cation efflux family protein, mRNA

TGGCTGGATCGACCCTCTTGAGCTATTATTCTGGCTTTATACACTATACGCACATGGTCGATGACGGTATTGG  
AAAATGTGAACTCCCTTGTCGGAAGATCAGCTGCCCCTGAGTATCTACAGAA

>trans\_c\_9359 GQ998228|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 clp protease  
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

AAAGACGCATCGTGGGGTTGACATATAGTGC GACTTGT CAGATATATTGGGTCATATGGTATTTCCCCGTTCTC  
TCCCCGATCGAGATATCCTCTCTTTGCGCCCTTCTGCCTAACTAAATTAGTA

>trans\_c\_9360 NM\_001056466|Oryza sativa Japonica Group Os03g0314100 (Os03g0314100)  
mRNA, complete cds

AACCACAGACATATCCTGAAATTTTGAGATCAAACCTTGCAAATACTGTTCTTACCTTGAAGAAGTTGGGAATT  
GATGACCTTGTGCATTTTGATTTTATGGATCCACCTGCTCCCGAGACATGTG

>trans\_c\_9361 DQ629298|Trichomanes sp. Qiu 01013 large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

GTGAAAAACCCGTTTCGCTGAAAGACCAAGGGTTCCAGTCCAACGTTAATCGGGGCTGGGTGAGTCGACCCCT  
AAGGCGAGGCCCAAAGGCGTAGTCGATGGGAACGGGGCGAATATTTCCCGGCCA

>trans\_c\_9362 AF479227|Greyia radlkoferi 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TAAAGGGACAGTCGGGGGCATTTCGTATTTCTGTGCCGGCCGGGGGACGGACTGGGAACGGCCTTTGGGGGC  
CTTCCCCGGGCGTCGAACAGTCAACTCAGAACTGACGTAGACAAGGGGAGCTTAG

>trans\_c\_9363 AF360344|Arabidopsis thaliana At2g26140 mRNA sequence

AAGAACTCTTCCGTAGAAATGATCCTGAAGCTGTTATAAAATTATTTGAAACTCAGCCATCATTGCACCACAAT  
GCTACTGCACTTTCTGAATATGTTAAAGCATTGGTGAAAGTTGACAGACTGG

>trans\_c\_9364 XM\_002300050|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE903),  
mRNA

GAAGGACTTGTTTACAGGCTGAGAAAAGAACTTCAACAGATTGAGACCCCTCAGAAAGAAAGTAGAATTGCT  
TAGAACACATAGTTTTACAGTTTCATCTTCTCATATATTCTTAGCTGTAGTGG

>trans\_c\_9365 HQ448762|Hemitomes congestum voucher Bidartondo s.n. 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence

TTGATTGCACTCCCTCCAGTTGAGTCTTTCCATTGTTGTGTCACTGTTTTTATCTGTGTGAAGAAGTTCACCGAA  
TGCCCCCGACTGTCCCTGTTAATCATTACTCCGATCCCGAAGGCCAACAG

>trans\_c\_9366 X82840|C.melo mRNA for aconitase (UNI-ZAPxR)

TGTGTGTGAGAATCAGTTCCAACAACACTATCAGGGTAGAGCAGACCACTAGTGTTGAAAACCACTCTTCCAA  
GATATTCCAAATTGACCTGATGCACAATACCAGACCCAGGAGGAACAACAG

>trans\_c\_9367 XM\_002887920|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATP binding protein, mRNA

ACCAAGTCGCCTAGCTTTTGTTCATGCACCTTGCTTCTGCATTCAATCGCTTGAGTGTAAGCTTGAATCCAGTA  
ATGGATGTCTATATTTCTTTGAGAACCGTTCCTTAACAATCGATCTCCTTC

>trans\_c\_9368 EU257654|Oryza alta isolate 1 retrotransposon Atlantys, complete sequence

TTGGACACAGATGAGCACACCCAAAACAGAGAAACGGTGGAAGGGATAACGGGGCCGTTTCTCGGTGACCTAA  
TATTGCACAGTGGGTTGTTCTTTCCGACATCCACTTTTACGCCTTGCCGT

>trans\_c\_9369 Novel Gene

GGGGTTTGTGTCACGTTCCCTCAGAGATAACTTGAAGATCAATCATTATGTGATCAGTATTAGCATGGTTAAAT  
ACATAAAACATCATAGGGAATTCAAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCA

>trans\_c\_9370 NM\_001189447|Oryza sativa Japonica Group Os11g0172166 (Os11g0172166)  
mRNA, partial cds

TGATGACTTGCAAAATACTGAGAAGAGACAGCCCGGAAACACGTCTTCTTCTTGAAGTGCGCAGTTCAGGC  
AACAACTCTGTTGATGGCCCTCCAGTGTCTGGTGGGGACTGAAACCCTTCC

>trans\_c\_9371 X80170|O.berteriana rpl2 gene

CCTAGGGGGTTACGCGCATAAAGTCTTCCGGAGATGGAGCGGACTTCCCTGTACTCAAAGTGAATTGTCTAAG  
TGCTCTCCCCTCTTGGCTTTGTCTCTTTGTCTGAGATCGTAATCATTCTCTTC

>trans\_c\_9372 NM\_001057857|Oryza sativa Japonica Group Os03g0757200 (Os03g0757200)  
mRNA, complete cds

TCCCTAGCCTCCGCTCTTAGGACGGGGATCAAGAGAGGTCAAACCCAAAAGAGATCGCGCGGATGCCCTGCC  
TGGGGTTGAAGTGCTAAACTAATCAGGCTAGTTCGTGCTACATACACTCACA

>trans\_c\_9373 NM\_116000|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein  
(AT3G61360) mRNA, complete cds

TCCATGAGTAGTCCGAGCGTATAGTGAAACGCCCCATGACATGACATGTTGCTGAATCTGTTCTTTTGCTACTTT  
CCTGTGCAGTTGCCGGATCTGTTTTGCGTCGGAACCAGGGTAAGCATACC

>trans\_c\_9374 NM\_126229|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G01680) mRNA,  
complete cds

TGATGCTTCTATATTGAATGAACGAGACAAGATGGGAAATACAGCTTTCATATAGCAACTAGAAAGTGTCGA  
TCAGAGATTGTAAGCCTTTTGCTGAGCTTTACATCGCTACCATGACGCATGC

>trans\_c\_9375 AF366293|Brassica napus glutamate 1-semialdehyde aminotransferase (Gsa) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AGGGTTGGTGGCTGCTGGGAAGAAGGCTGGGCATGCCATATCTGGAGGATACATAAATGGAATGTTTGGGT  
TTTCTTTACTGATGGCCCAGTTCATAACTTCGAAGATGCTAAAAAGAGTGACA

>trans\_c\_9376 AB514116|Alopecurus aequalis AaTUA2 mRNA for alpha-tubulin, complete cds

AGGAGACTTACGGCTCAGACAAGCGTTCCAAAAGTAATGACCCCAATCCAGATCCAGTTCCACCACCAACA  
GCATTAAATACTAAGAACCCTTGTAACCAAGTGCAATTGTCTGGCTAATTTTC

>trans\_c\_9377 Novel Gene

AACTTGACTCAATTGCTACACAAAGAGGTAGTAGCGTTGGGGATGCTGGAGGTGCTGCTGATCGTGTACTGA  
ACCAACTTCTTACGGAAATGGATGGAATGTCTGCAAGGACTCATGGGGGTGAC

>trans\_c\_9378 Novel Gene

TGCTACATTTTCACATTGGATCCCAGATCCCCTCTACTGCTTTGCTCGCTGATGGCGTTGCGCAGGCTGCTCAG  
ATCTATTGTGAATTGGTCCGTCTCGGTGCTTTGTATATGTGGCGGTACGT

>trans\_c\_9379 XM\_002320058|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AAGTTAACATACGACCTTTCCAAGCATTTTTTCAGACAGGTTTACCCATATACTCTGCAAAGGCTGTGCGTTTTTC  
GGTTTGGTCACTTAAAAACACGTCATGGATCTTAGGAGTGATTTGGTTGGG

>trans\_c\_9380 EF595955|Myrmecosicyos messorius isolate 2007-B48 tRNA-Gly (trnG) gene, partial  
sequence; chloroplast

ATCAATACTTCCAATTGAAGGAATAAGGGATCCATGGATAAAGGTGGAATTTTTTCTAATCGTAACTAATAGA  
AGTTAAAAAAGAAACATATCCCTCTAACTTCGTTTTGTTTTATCCTATTTT

>trans\_c\_9381 Novel Gene

CGTCGTTCAATTTATGGGGATTATGAGGAAAAGTCAATCAAATGTTGAAGAAAGCTTTGGCATTGAAGAAGGTT  
CGGATGACTCGCCGTCTGAATCGTCATCGTGGCTCAAACCTAAGTGTTGACGA

>trans\_c\_9382 EF179289|Cymbopetalum brasiliense isolate 530 NADH dehydrogenase subunit F  
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

TCGTTAGTTCAAATGTATAAGGTCCTCTTACTGCAGGTAACAATAGTAATGGACGTTTCCTCCCTGGGACAAGC  
TGTTTCAGATGCCTTTACGATTGTCCACCCCATTCGAGAAGGTCTAGAACGG

>trans\_c\_9383 NM\_001054573|Oryza sativa Japonica Group Os02g0734300 (Os02g0734300)  
mRNA, complete cds

CGAGGAACTCAAGTAGAGGAAACATGTATCCTTCATAGAAAGTGTCATAGGTTTTGCTCTTGAACTCCAAC  
CCCCAATTCACCCCTGAACAATCCCCTAACACCAGCTTCCTCAAGGGTTTTCT

>trans\_c\_9384 EF207456|Ribes americanum inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

CGCACGAATCGGATTTTTTGAGGAACATATCGAGAGAGAATTGGATTTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAA  
ACAAGGATCGGTTTTTTAGCAAGGTACGGGGCACTCCACTGGGCGCCTGCGCG

>trans\_c\_9385 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

ACTCTCAGGCCTTCGGTCTCTTTTTTGAGCAAGAATCACAGCCTTACCGCTACGTGGGCTTCACCATGATACGG  
ACTCCAAGTTCTGATGGCGGAGCACGAGCCCTAAAGAGAGAAAGAGTCCCT

>trans\_c\_9386 NM\_105734|Arabidopsis thaliana MMZ2 (MMS ZWEI HOMOLOGE 2); protein  
binding / ubiquitin-protein ligase (MMZ2) mRNA, complete cds

CCGGCGGCCCTTGAAAATCCAAGGGATAGGGGATGGAAGTGTGAGCTATGGCATGGACGACCCAGATGATTT  
ATTAATGCAATCTTGGACTGGGACCATCGCGACAGGTGGATTATGACACTGTG

>trans\_c\_9387 XM\_002330356|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb3  
(Lhcb3-1), mRNA



GGAGGTGGGCGATGTTGGGTGCATTGGGTGCATAACACCCGAAGTCTTAGAAAAGTGGCTTAAAGTGGACT  
TCAAGGAGCCAGTATGGGGCAAGGCAGGAGCCCAAATCTTTGTGAGGAAGAAC

>trans\_c\_9388 AM777385|Lolium perenne complete chloroplast genome

TGCCTCGTTACGGCGCACAAAGGTGGAAGGCCACGGGTCGTCAACTTCTTTCTCGGAGAAGAAACAATGA  
CGGTATCTGAGGCGCGGGTTAATGCACTGATAAGAAACACACTGACTGAGTCA

>trans\_c\_9389 X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

CGAGTGAAGTGTGCTTAGACGCTTCGTAAACCGCACCGATGACGGAGAGGAGCTGATGGATGAGTAGGCTT  
CCCCTTTCTCTTCACGGAATGTGATTTGGGACACGATGGGAGTTTGCGTGCCT

>trans\_c\_9390 AY103778|Zea mays PCO063180 mRNA sequence

TGCAGTTAGTGCTGGAACAACCATGAAGTGGGTAGTATGATTGCTGAAGCCATGAGCAAGGTAGGAAGGA  
AGGGTGTGGTGACCTTGAAGAGGGAAGAAGTGCCGATAACTTTCTCTATGTTG

>trans\_c\_9391 FJ909904|Zea mays subsp. mays Mu transposon insertion Mu1007599 flanking  
sequence

TGAGGATGATGAGGTGGAATGCAAAGACATTCAGGATAAGAAAGTGGAACTACCTCACCACCACTGCCACC  
GCCGAAGATGGTTCGAATGGCTAAAGATACACAACATCCACCACTACGTCAT

>trans\_c\_9392 AY109939|Zea mays CL2565\_1 mRNA sequence

TGGTTAAAGAAAGCATCCCAGATAATGCTTCAGTGAAAGATAGTGGAAATTTCTGATGCTCCTAAGTTACTTGA  
ACCAGTTTTGAGTGAAGTAGATGGTGAAAAACATCCTTTAGATGAAGAAGGT

>trans\_c\_9393 Novel Gene

GCGCTCCACTCTTCCATTCTGAGTTGCACTCCCATAAAGAAGAGATAAGGACCTTCTCCACAAATTCTTCTCCTT  
TGATCCTCTCCTTCTTAGTCTCGCTCCTCTCCTTCTCCTAACCTCAGTCGAG

>trans\_c\_9394 X73961|C.sativus mRNA for heat shock protein 70 (hsp70)

CGCTTTCCGTTTTTCGGCGTTGGCCTGGGTCAAAGATGACAGCTCCATTTTGGCTTTCTCAGCCGTCTCAGTTAG  
CCGCTGAAGAGCCTGTTTGTCTTTCAGACCCTCAATGCCTTCATCCCTTTT

>trans\_c\_9395 AB024081|Cucumis sativus NPR gene for NADPH-protochlorophyllide  
oxidoreductase, partial cds

CCCATCTCCCTACCCCCAAAGAGGGGAAATCTAGTGTATGCTTGAAAGATTCTAGTTTGTGTTGGGATTTTCATT  
CTCAGACCATCTCAAGCTCAGGCCTCTGGACGAGCTCCCAGAACAGCCAGA

>trans\_c\_9396 DQ231576|Nicotiana sylvestris cryptochrome 1 (cry1) mRNA, complete cds

ATCTGGGCTCCTGAGGAAGAGGGTCACTATTATCCCGGTAGAGTTTCCCGATGGTGGCTTAAACAAAGCTTAG  
CTCATCTTGATTCTTCTCTTAGAAGCCTTGGTACTCGCCTTGCGGCATGTCG

>trans\_c\_9397 XM\_002311331|Populus trichocarpa precursor of dehydrogenase dihydrolipoamide  
dehydrogenase 1 (LPD1), mRNA

CGGAAGGCCTTCTTCTCTCCAGAAATGCTTCTCACTCTTCTCCGTGGATGTTCTCAAGCTCACCTTTTCCAGG  
GGCTTCGCTTCATCGGGATCTGATGAGAATGACGTCGTCGTCATGTTATT

>trans\_c\_9398 Novel Gene

CAGGTACATGCGAAGAAATCCTCTTCTTTTGGATTGTTTTTCATCTAATAATTTTCTCCCTTTCCTCTTTTTTC  
TTTTCTTCAATTTACCTATGGGCGCGCGCGCGCGCCGAAAGCGAGCT

>trans\_c\_9399 FJ475350|Phyllostachys edulis cellulose synthase (CesA2) mRNA, complete cds

GCTTCTTGCAAAGGGAACCTGTCCTTCCATGGGCTCTGCAGTTTCAGAGAGCGCTTCAAAGTAAGCATTGC  
TGAACCATCGTCTGATACATAGCACGAGACTTTGTCCACTGGGTAGTCCACG

>trans\_c\_9400 BT024705|Arabidopsis thaliana At2g39650 mRNA, complete cds

CGAACATGATTTGGCTCTTATGGTTAGCGATTTCTTGAAAATGGAAGCGGTGGAGGTGAGTCTTGGTGTAGT  
AGCGATAGCGATTCTGGTGTTCGATCTTGTTTCATCTTGCTGAATTCTAAC

>trans\_c\_9401 AM939973|Triticum turgidum subsp. durum UTR region for TdLFC47 gene

GATGGCTGTCGTCAGCTCGTGCCGTAAGACACCACCAACCTGAAATATAACGAGCGAAACCCTCGTTTTGTGT  
TGCTGAGTGACGCGGATTCTAGTTCAGAAACGTTGGCTTCCTATTAGAG

>trans\_c\_9402 AF393605|Pedinomonas minor small subunit ribosomal RNA (rrs) gene, complete  
sequence; tRNA-Ile (trnI(gau)) and tRNA-Ala (trnA(ugc)) genes, complete sequence; and large  
subunit ribosomal RNA (rrl) and 5S ribosomal RNA (rrf) genes, complete sequence; chloroplast genes  
for chloroplast products

TGGGTAGCTATGTGCGGAAGGGATAAGTGCTGAAAGCATCTAAGCATGAAGCCCCCTCAAGATGAAACTTC  
CCATCACTTCGAGTGAGTAAGATCCCTCAGAGACTCTGAGGTTGATAGGAGGG

>trans\_c\_9403 AF306342|Eucalyptus risdonii PsbA (psbA) gene, partial cds; and tRNA-Lys (trnK)  
gene, partial sequence; chloroplast genes for chloroplast products

GCGATAGCGGCTAATAAAAGCATAGATATATATTTATGGATGTTTATATTGGTTGACATGGGTATATAAGTCA  
TGTTATACTGTTGAATAACAAGCCCTTCATTTCTATTTCTAGAGAATTCAT

>trans\_c\_9404 AL161536|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 36

GGCGGCGAGGGAAACTGAACCTGAGCGTGATCTTAGCGAAGAGGAGGATTCAGTAGAAGCGAATAATCCT  
AGTTGGATAGATCCGAGTTCCGATAATAGGTATGATCGGACGGGTTCGGGCGAG

>trans\_c\_9405 AB331360|Liriodendron chinense chloroplast rpl2, rps19, rpl22, rps3 genes, partial  
and complete cds

ATATTATCATTGAACCAGGGCGAGCATCTACCATTATACCCACAATGATTGGGCATACTATTGCTATTCATAAT  
GGAAAGGACCATTTGCCTGTTTATATAACGGCGATGCGTTGCTTGATACC

>trans\_c\_9406 NM\_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);  
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

ACATGTTGCGCATATGGGGCACTTCTCCAGATTCTATAGATGCGGCTGAAGACAGAGAAAGGTTCAATGCAATC  
CTTAACGAGTTGAAGATAGAGCAACCAAGAGGGGGCATTGCCGGGAGTGGGA

>trans\_c\_9407 BT015169|Arabidopsis thaliana At2g31560 gene, complete cds

TCTGTAACACTCTGCCGGCTTTGGAGCTCTGTTATTCCATGAGCCAGAAGTACATGGACGATCACCAGAAGTC  
GCCGAGAGACCTATTAATCCTAATGACCTTTATAAGTCTCCATCATGAGTGT

>trans\_c\_9408 NM\_001060616|Oryza sativa Japonica Group Os04g0649200 (Os04g0649200)  
mRNA, complete cds

AATGGGAGATAACAACCTGCTTCAGAAAAGTTAGCAGAGTGCCAAGAGACGATTCTTAACCTTGGTAAGCAGT  
TGAAGGCTCTAGCTACGCCAAGGAAGCTGCATAAAATCTGTTTGTATCCCC

>trans\_c\_9409 NM\_001060782|Oryza sativa Japonica Group Os04g0675400 (Os04g0675400)  
mRNA, complete cds

AATGTATTGGCTGCTTGAAATGTGCTTTATTTGCTGGGAAAACCTTTTGTGTTGAATCTGTGTATGGGAGAGCA  
AGAGTTGTGGCTCAATGGGCTGATCCTGAATATAAAGTCATGGAGGCTATT

>trans\_c\_9410 XM\_002893553|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kelch repeat-containing F-box  
family protein, mRNA

TGGGAAGCTATTGAAGGGCCACCTTTACCCGAACAGATATGCAAACCGTTTGCTGTGAATGCATGTGATTCTA  
CCATATACGTTGTCGGTAGGAACCTACATGTACGTGTATATTGCGCTCTCGT

>trans\_c\_9411 AY220483|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 276 (ACRE276)  
mRNA, complete cds

CGTTATTCAGCCTGTCTGCAGTTCATGACTACAAGAAGAGAATAGCAGAAGAAGGTGGTGCAGTTGAAGCCT  
TGGCTGGGTTGTTGAGAGATGGTACCCCAAGAGGAAAGAACCAGTTTAAACCA

>trans\_c\_9412 M16858|Broad bean (V.faba) BamHI repetitive element, 1750 bp family

AGGTAGGGCTTGGGTTGTATGAGTATCTATTCTACGGATTCATTAATAATATAGATCATGAAAAATACTGATAC  
ATGATGATGTCTGGAAATCTACCCTTTAACTAACTATACGCGGTTTTTGT

>trans\_c\_9413 NM\_126605|Arabidopsis thaliana subtilase family protein (AT2G05920) mRNA,  
complete cds

AATGGCTTCCGGTGGCGGGTATTTAGAAAACCGAGAGAGAATCAGTCAGCTAGAGATCAGGATGGGCACG  
GAACGCACACCGCGAGCACGGCTGCTGGTGACACGTGTAAGCCACGCTCAAATA

>trans\_c\_9414 M21296|Soybean (G.max L.) beta-tubulin (S-beta-1) gene, complete cds

AGTGGATCCCAAACAATGTAAATCAAGTGTGTTGTGACATCCCTCCAACTGGGTTGTCAATGTCTTCAACATTC  
ATGGGAAACTCGACCTCAATACAAGAGATGTTTCCCGCTCCCTCAAACCA

>trans\_c\_9415 NM\_118743|Arabidopsis thaliana CK1 (CASEIN KINASE 1); ATP binding / kinase/  
protein kinase/ protein serine/threonine kinase (CK1) mRNA, complete cds

CTGTGACTGCTGATACTTTAAAATGGTCCAGTCAAACACATAATCAAACCTTGAAACCTTCACGAATAAATAGAT  
CACGAAATATTCTTTTCAGATAAGCATAATCTGGCTTATCATCGAAACGCG

>trans\_c\_9416 DQ869863|Camellia sinensis zinc finger protein mRNA, complete cds

GGGGGACGGACTGGGTTTAACAGGCTTCAATTGTCGGTGTGGTAATGTATTTGTGCAGTTCATCGTTACTCT  
GACAAACACAATTGCCCTTTGATTACCGCACTTCTGCACAGGATGCAATTG

>trans\_c\_9417 NM\_104444|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein (AT1G55680) mRNA,  
complete cds

TAAGCTACTTGTTGCTGGGGGATTTCAAGGAGAGCTTATTTGCAAGCATCTAGACCGCCCAGGCGTTAGCTTT  
TGTTTCAGAACTTATGATGATAATGCTATATGATTACGACAACTCATAG

>trans\_c\_9418 NM\_001055372|Oryza sativa Japonica Group Os03g0128100 (Os03g0128100)  
mRNA, partial cds

CTGGATGGCCGTAATGGAATCGAACTTTCAAAGGGTTTGCCAACAATCTCTGCCCGATAGTTACAAAAAGCCT  
TTCTTCGTTTGAGGAAACACCACTTCCCGTCCGACTTGCATGTGTTAAGCAT

>trans\_c\_9419 XM\_002892257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADP-glucose pyrophosphorylase  
small subunit 2 (APS2), mRNA

AGAGAAAAATGAGAAAGTAGCTCTCTGGAGAAGTTGATAATTCTTGAGAACTTGTTGAGAAAAATGCCTTC  
TTAGAAAAATTCCATTTCTGATATGAGTGTTGACTTGGAAGAGACCAAGTCTC

>trans\_c\_9420 XM\_002891691|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata sodium/calcium exchanger family  
protein, mRNA

AAGTGCTGAGGTTGCACAAAGCCAGGTCTCTGTTGGAATGGGTCTACTAGCTGGCTCAACTGTCATGCTTCTT  
AACTGATCTGGGGCACATGTGTGATTGTTGGGAAGTGACACCTTGTTC

>trans\_c\_9421 NM\_102047|Arabidopsis thaliana ATP1P5K1 (PHOSPHATIDYLINOSITOL-4-  
PHOSPHATE 5-KINASE 1); 1-phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase/ actin filament binding / >  
(ATP1P5K1) mRNA, complete cds

GCAGACGATTCCAAGGGCCATAAGAACTACGAACTCATGCTCAATCTCCAACAGGGTATAAGGTATTCTATT  
GGGAAGCACGCTTCAATTCTCGGAACCTTAAGCCGAGTGAGGGATCGAAGC

>trans\_c\_9422 AF209745|Synthetic TGEV truncated spike protein (S) mRNA, complete sequence

CCGCTCTTGTCGGTGGAAGGATAACAGGTCGTTGAGGTGTGGCCCGTCAAATACTCTGTGGGTAGTTCTCAGC  
CCAACAACCACTTTTCCCTTCCCTGACCTGTAGGACCGAGTGAGTGTGCG

>trans\_c\_9423 NM\_180137|Arabidopsis thaliana SPL1 (SQUAMOSA PROMOTER BINDING PROTEIN-  
LIKE 1); DNA binding / transcription factor (SPL1) mRNA, complete cds

AGTCAAGTCCTCCTCAAACCTAGTGGAATTGAGATTGAGCTTCTGCCAGTCACCTTCAAGCTCTGCTGGAGAA  
GCCAGAGCCGCACAGATCGCATCATTTTGAAATTATTTGGAAAAGCACCG

>trans\_c\_9424 NM\_001052320|Oryza sativa Japonica Group Os02g0130600 (Os02g0130600)  
mRNA, complete cds

AGGTTCAAGTTGGGTCATTGTACGAGGATGAACTCTGGCGGACGTGTCTAAAAGAAATACATCCACTTTGCCTC  
CTAGCTTACAGAATGCTTGCTTTTGTCTGCTTTTGGATTGATATTAAGTG

>trans\_c\_9425 GU831096|Schiedea globosa isolate Sg91 LuxR family transcriptional regulator gene,  
partial cds

AGCACCGCCTCCTCTCCCGGATACCCTTTTGGAGATGAAATTGACCCTGCTACTTATTCCTTCACTAATGCCATC  
AAGGCACTGCAAGCCAGGTCGCTTAACAGTTGGGAATGCTTTTCTCTTGA

>trans\_c\_9426 Novel Gene

ATCCTGTCAAACAAATGATAGAATGGAAGAAGAAATTCAGTGTGCAACCCTGACTTTGTATAGCGAGAAAGCC  
TCTGATAATGTGAGAAAGTGCGAAGCAAGGAAACGGAGTTCTAGAAGTTGAG

>trans\_c\_9427 FJ895887|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf2 (ycf2) gene, partial cds;  
chloroplast

AAGTAATTGCTCCATAGATCCTATATCTATCTATATGAAGAAGAAATCATGTAACGAAGGGGGTTCTTATTTGT  
ACAAGTGGTGTCCGAAGTCAAACGAGCATGAAGAAATTAATGATACTTC

>trans\_c\_9428 FJ911553|Cucumis sativus sedoheptulose-1,7-bisphosphatase (SBPase) mRNA,  
complete cds

GGGCCACATTTGATAACCCTGACTATGACAAGCTGATCAACTACTATGTGAAGGAAAAATACACATTGAGATA  
CACAGGAGGAATGGTTCTGACGTCAACCAGATATAACACTTTTCTCCCCC

>trans\_c\_9429 AB070892|Pisum sativum sdh4 gene for succinate dehydrogenase subunit 4,  
complete cds

CTCCCTGAGTCCATTAGGTTCTTCGATTTATTCGGAAAAAAATGAGAGCCAAGAAAAGATCTTTGATGGAG  
ATGAAAAGGAACAATCTCAAATAGACCAAGATCCAATTCGGGTCATTCTT

>trans\_c\_9430 XM\_002870379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ethylene-dependent gravitropism-  
deficient and yellow-green 1 (EGY1), mRNA

GTCAACTTGGGTACTCCGATCAGGAAGAATCGACTGAACTGAGTGATTGCACCAAAGCTGCCAAGAGTTATG  
TTAGGAATGAAGTACGGAATGCTGAGTTTCACTTTCTTTGGAAAAGCAGCCA

>trans\_c\_9431 X83991|G.glabra chloroplast rbcl gene, promoter region

TCACCAAATACAGCATTATTGTATACTCTTTCATATGTATGGCGCAACCCAATGCTTTTTTCAAGTTTGTAACT  
AATCTTTTGCCTCATTTATAACTGCGCCATTTAATTCAGTCTTGACAGTA

>trans\_c\_9432 AB353300|Lotus japonicus ACTK mRNA for ACT-domain-containing protein kinase,  
complete cds

AAGGATTCCAACAACGAGGAGGCTATTCAGCCTGGTTTTGATGACGAACTATGGGTTCACTTCAATCGTCTTCC  
CACTCGATATGCTCTAGACGTAAATGTGGAGAGGGCAGTTCTACAAGAGTA

>trans\_c\_9433 FJ911553|Cucumis sativus sedoheptulose-1,7-bisphosphatase (SBPase) mRNA, complete cds

GGGCCACATTTGATAACCCTGACTATGACAAGCTGATCAACTACTATGTGAAGGAAAAATACACATTGAGATA  
CACAGGAGGAATGGTTCCTGACGTCAACCAGATATAACACTTTTCTCCCCC

>trans\_c\_9434 AJ277389|Arabidopsis thaliana mRNA for sigma factor-like protein (sig gene)

CAAGCGTCTCCTGCTCGATACTTTCAACCTCATTTCTTTCACAAGAACAGCACCATGAGTGTAGACCTCAATCG  
CAAATACTCAAGGATGATAGAACATCCCAGATGACTCTAGATAGAGAATC

>trans\_c\_9435 HM851188|Capsicum annuum isolate 2 pto-like protein kinase gene, partial cds

CAAGGTTGCAGACTTTGGACTCTCGAAGATTGGCCCTGAATTTGACAAGACTCACGTCAGTACAGCAGTGAAA  
GGAAGCTTTGGCTATCTCGATCCTGAGTATTTAACGACGCAGCAACTGACCG

>trans\_c\_9436 Novel Gene

GATCGAACAAACACAACATAACAGTATTGTTGCTAATCTTAATTAATCTTGTAATTCGTAAGCATAACTTT  
TTTCTGTTTCATTTTTCCGGGGGAACCTTCCGGGACACTGTATCACAAAA

>trans\_c\_9437 AJ969166|Zea mays PR4 gene promoter

CACTAATGCACCGCTCTCTCTCTCTCTAGGCAAAGGGCACAGCACACCATTCTAGCGCGAATACTCAGCC  
TAACCACTCAGATCAGGAATACATATTGATACTGAGGGCGCGGTTGATGAT

>trans\_c\_9438 AY105422|Zea mays PCO091928 mRNA sequence

GTATTTTCTGTAGTTTATACACTGTAATAAGGTGGCTAAACAATGGCACTACAAAACCTCACGATATCTTTCTGG  
GAAAACAAAAAAGGAATAAAAGGAACATAGAACAAGAAAAGAAGAAAAGGC

>trans\_c\_9439 Novel Gene

AGAATGGCTGCCCCAAGCTGGCTTCTAACTTCCTTGCTGGCAAGAAGCTTAGGCTGAGAACTTAAATGCTGC  
TGCTGTCTGTTGCTCCTCGATCCGCTCCGGTATATATTATGATATCGATTAGC

>trans\_c\_9440 Novel Gene

TACAATACGGCACTCTAGTAAGCCCCGTTCTGTAGCCTATAAGGCCGAGTGAATAACTGTCAATTTTGGCCATA  
GTTGTTCTGGGCCCATTTGGGCTTGGTGCTCCACACGTGTCTCAGCACCCAAT

>trans\_c\_9441 XM\_002892183|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata coenzyme F420 hydrogenase family, mRNA

GTGACATAACAGCCTCGACCATGCCTGATTTAAGCATTTCAACTGCTATGGTTGTTACTATCCCTGTCCATTGA  
GCTCCTTCCACTGGTTTAATCTTACGAGCATATAATAGCTTCTCATGAAC

>trans\_c\_9442 Novel Gene

CGACTGTTTATTA AAAACACAGGACTCTGCTAAGTGGTAACACGATGTATAGAGTCTGACACCTGCCCCGTGTA  
GTTCTGTCTGGAAGGAGAAGTGTGATAAGCTTTGAATGGAAGCCCCGGTAAA

>trans\_c\_9443 HQ340170|Oryza coarctata ubiquitin 2 gene, partial cds

AGGACGGCCGAACCTTGCCGATTACAATATACAGAAGGAATCTACTCTCCACCTCGTGCTCCGGCTCCGTGG  
TGGCATGCAAATTTTTGTCAAGACTCTTACCGGACCTGTCGCACAAAGACTC

>trans\_c\_9444 NM\_001049928|Oryza sativa Japonica Group Os01g0577600 (Os01g0577600)  
mRNA, complete cds

ACGACAACGGGTTCGATTCACCGAGAAGAGCGATATCTACGCATTTGGAATGATTGTACTTCAAGTCATCTCCG  
GGAAAACAAACATCATGAAGTTGAACTACAACACTATCGAGTTGCGTCGGT

>trans\_c\_9445 AB044224|Volvulina steinii chloroplast psaA gene for P700 chlorophyll a-protein A1,  
partial cds, strain:UTEX 1531

AATGTCATTTATCTAACTTTATGGGATGATGAACTACTTGTACTAGCTAGCTACTATATTTATCTTCTTGATCA  
TCATATGGTTCAATAAGACCATGTTCTTCTTGATGGGGTAAAGCACTG

>trans\_c\_9446 EF463603|Asplenium platyneuron ATP synthase alpha chain (atpA) gene, partial  
sequence; chloroplast

CCAGCAAGCGAGATTTCCCTTATTGCATTTTCCAACCGAACGAATCCGTCCTTCAATTCCGTTCTTCTGTTTG  
AAAACCTGTTCTGGGTCTGTTTCAATTCTGAATAAGATGGTGAATTTGG

>trans\_c\_9447 Novel Gene

AAAAGGAAGATGAAGTTTCGGGAAATATCGGTTCTGGTTCTATGTTTGCTGGGTTTGTCTTGGAGCGATCG  
CAGATTCTCACACATGTCCTGCTGATCTAATATCACTTACGTCAGTAAGAC

>trans\_c\_9448 EU930859|Juglans cinerea marker CAPS08 genomic sequence; plastid

CATATTTGAAAGTTTCAATTAGTTCCTTATAAGACCCAAAAGTCTAGTCTAGGGGAGTTGAAAGGCGGGAATG  
GCCAAGATTCATCTCAGATACAGTACAAATAGAATCCGATTCTCTTTCTGC

>trans\_c\_9449 DQ822904|Glycine max MYB transcription factor MYB93 (MYB93) mRNA, complete  
cds

AAGGTGTTCCATGGACTGAGGAAGAGCATAGGATGTTTTTATTGGGATTACAGAACTTGAAAAGGAGACT  
GGCGTGGGATAGCACGTACGGCGTGGTGCAAACCTCACAAGCACACCTGTTA

>trans\_c\_9450 AB258394|Lolium perenne LpCBFII mRNA for CRT-binding factor, complete cds

TCCCTCAGCCTCACTTTGCTACTCCAAATTTGTTCTTTCCAAACCAAAGGCAGGCAACAATGGCTTCCTTAGCA  
ACATTTGCTGCCGTTCAACCGGCCACCGTAAAGGGTCTACCACAGGATA

>trans\_c\_9451 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

TCGAAAAGCACGCTAATCCCTATGTTGTGCGGAGCTGAGCATCTTCTATTGCTGGGATCAAGCTTTTCCTCTG  
CAGGGGCCTTGTGCAGTAAACCCCTACCCCGCCAGTGGGCAGGTGTGTG

>trans\_c\_9452 X63560|L.esculentum mRNA for shikimate kinase precursor

GCAGCAGTTGCAGTTTTTCGCCATGGATTCACTCGAAGAGTGTCTTGCAAAACCGAAGGGTTCGCTGCATTTCCCTCGGAGATTAGCGGAGCAGGATATATTGCAGGCCCCGGGGATAAGATA

>trans\_c\_9453 AB021862|Cucumis melo mRNA for HMG-CoA reductase, complete cds

CACACAAATTCACCACTACAACCTCCCAAACAACTATGAACAGCCCTTTACAAGTTTTCAATTCTTACGACCGCAGTCCGATCTCGAAGCTTTCCACAGTACCACGTTGGACTGCTGGATCC

>trans\_c\_9454 M55147|Pea chloroplast glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase (Gpb1) gene, complete cds

CAGAGTTAGCAGACATGGCCACTCACGCAGCTCTGGCTTCCACTAGAATCCCAACCAACACAAGGCTTCCTTCC AAGACTTCCTACTCTTTCCCACTCGCTGCTCAGCCTCTCTTAGAACGTG

>trans\_c\_9455 NM\_001071598|Oryza sativa Japonica Group Os10g0516400 (Os10g0516400) mRNA, complete cds

GCAAGAGATGTCTCCCCGTCGAAACACCCACCTTCCGGTACGCTGTGCTTTATTGGCGGGAACGGATTCATTAAAAAATCCCACTCGATATTAAAATTGTTTCTTGCAGGATCAACCAGGTA

>trans\_c\_9456 AY081536|Arabidopsis thaliana endomembrane protein EMP70 precursor isolog (At1g10950) mRNA, complete cds

TCCAAATAAATATCAAACCGTCGAGCGAAAGTGACATTAGTCGAAATCCACTTCACAGCATATGTCAAGTCCAATGTCTTCCCAACTCCAATGGTTTTAAGTTTTCTTGAGTGAGATTCACGT

>trans\_c\_9457 Novel Gene

GAAGACAACCTCTCTCCGGCGTAGTGGGACCTTGTTCAATTGATTCCATTGACTTTGATTCCGTTCCGGATTGCTCGCCTTCTACGGACTCTTCAATACGTGATTTTTCTTGCGGGTATAAGCGT

>trans\_c\_9458 NM\_001068792|Oryza sativa Japonica Group Os08g0519100 (Os08g0519100) mRNA, complete cds

CGCCGCTTCTTTCCGCCAACGACTCTCCCGTCCACCGCTCCGGCAGCTTCCGGTCGACGGCGAAATCCATCTTCAACCTTAAAAACTTGACGTCCTTCTCGGGCCAATAGATATACGGCCGCA

>trans\_c\_9459 EF135616|Rhizanthus zippelii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ACGTTTGGCTGATCGAAGCCTTTTGAAAAAGGATTTAGTTCTGCCGCGACAGCGCGAACTTCGAAAGGGAATCGGGTTAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCCAGTAATGGTTGCCCC

>trans\_c\_9460 XM\_002308946|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 4 (EBF4), mRNA

TGCATGGCAGTTGCGAATGGTCAACGACCGCAAGGATCCACTAGAGGCTGGGATAGGCAATTCAGAGTTAATGTCCTTAATTCCCAAGCAGCTTATGAGAGAAAGAGCCTTCAAACCTTCACTG

>trans\_c\_9461 XM\_002325151|Populus trichocarpa vacuolar H<sup>+</sup>-translocating inorganic pyrophosphatase, mRNA



AGGAGAGGAGATAGAAGCAACATCGAGAGCAGCACAGGATGACTCAGCATATGAACCAAAAAGATCAGATC  
CCATACCCGCAATATCCCCAACGTTGTCACCCACATTATCAGCAATCACAGCT

>trans\_c\_9462 DQ086863|Arabidopsis thaliana At2g28840 mRNA, complete cds

AGCTGATCCAACTGTTTTGGAACAGACCACTCCTCGTTCCAGGATGTCGGCTCTGCACATCGCAGCTGCTTATG  
GTCAGATCGAGATTCTTTCTCTGCTCTTGGATCGACTCACAGGCTTCAGA

>trans\_c\_9463 NM\_180338|Arabidopsis thaliana DNA binding / protein binding / transcription  
regulator (AT3G48050) mRNA, complete cds

TCCGGTGGTTGACGGCTGGTAAGGAGAATAAGTTGAAGTTAGGTGTAAATTGGCTTTATCGATCTTCTGAACT  
AAGGCTCGGCAAAGGCATCCTTTTGAAGCTGCGCCAAACGAAGTCTTCTA

>trans\_c\_9464 Z11889|Triticum aestivum mitochondrion rrn26 gene for rRNA large subunit (26S)

CGGGGGCCCATTTTTCTCGAGATGAGAACTCCCATGGATCTCCGATCGGGAAACCGTATCCAAGCTCCGTGGC  
TAGTCTGCGCTCTTTGGACTTTTCAAAGAATCGCTTGACTTTGTAGAATCA

>trans\_c\_9465 Novel Gene

AGAGGCTGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTGGGGGCGAAGGGACTCGAACCCGGAAGTCTCGGATGGAGTC  
GATAATTTACTTAAAAAAATAAGTACCCAGCTGGTTCTACCGGGATGCCTCA

>trans\_c\_9466 AC069556|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T1G16 From  
Chromosome V, complete sequence

ACACCTACAGTGGGCTTGGGGCAATGACGCAGCTAGTGAGGTACTAACCGAGGCGCGTCTATTGCTGGTTG  
AAACTATTTCCAAACCCCTCTTAGGCCTGGGCCTTTGGGGGGGGGGGGGA

>trans\_c\_9467 NM\_119181|Arabidopsis thaliana heat shock protein-related (AT4G30350) mRNA,  
complete cds

TCTTGGGTCCCGACCGAGTTGGAAAGAAGAAGATGGCAACTGCTCTTGCAGAGTTGGTATCTGGATCCAGTCC  
TGTAAGTGTGTTGCTTGGCTCGAAACGCAATGATGGAGAATCAGAGATCAG

>trans\_c\_9468 AB548009|Picea morrisonicola chloroplast ycf3 gene for photosystem I assembly  
protein Ycf3, complete cds

CCTAGAGGAGCCGTATGAGGCGGAAGCTCCACGTACGGTTTTGAAGCCGAGCCTTCCAGCAATGGGGCTTA  
GGGACCGATATGATGATTGGTTTAGGTACCGTATTGTAAACGCGTGGCTGT

>trans\_c\_9469 AY113172|Arabidopsis thaliana At3g51880/ORF13 mRNA, complete cds

TCAAGGGTCTCCAGAGAAGCTTTGAAGCCAGTCGATGATAGAAAGGTTGGGAAGCGAAAGGCTGTTGTTAAA  
GCTGACAAGGGTACCAAACGACCAACAAAGAAAGATTTGAAAGCCAAGAAAG

>trans\_c\_9470 DQ676845|Nicotiana tabacum chloroplast pigment-binding protein CP26 (Lhcb5)  
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AACACCATAGGTCCGGACAGAAGGATTTTCTTGCCAGATGGTTTGTGGACCGATCGGAGATCCCCGAGTACT  
TGAACGGAGAAGTCCCCGGCGACTATGGTTATGTGGGGGGGTTGTCTGTAC

>trans\_c\_9471 EF207455|Rhodoleia championii inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TGGGTATTTTGGTTTGACACTGCTTCACACCCACCCAGAAGCGAGCTACGTCTGAGTTAAACTTGGAGATGGA  
AGTCTTCTTTCTGTTTCTCGACGGTGAAGTAAGACTTCACTCTGTCTCTCGA

>trans\_c\_9472 Novel Gene

AGCTTCAACTCAATGTCCAAACAACCCAATCTCAAAGCCTAGTGTGGAGACCAAACCTACAAAGCAATCAAGA  
GACCTCGGTTCTGATCAATCATCACCACAAGTACAGCTGAAACACTCTAAA

>trans\_c\_9473 AB188827|Arabidopsis thaliana SLH1 gene gene for disease resistance protein SLH1,  
complete cds

GGACAAGGTTCTTTCCACAACCATTGACTCTTTATCATTGAACCCTTGTGGGGTTGGATCAAAGGAAGCAGA  
TTCCATGGAAGAGAGGTGTGTGAAGGAGTTGGGATATGTGCGTGCAAAGA

>trans\_c\_9474 AF032471|Citrullus lanatus ADP-glucose pyrophosphorylase small subunit (wms1)  
mRNA, complete cds

CGTCGTCGTCGTCTTCATCGTCCAATGGTGGTCCAACCGTGCTAGGAGAACTAGCCTTCGAAGCCTCTCATTT  
GGTGCGTCTCAAATTTCTGGTGATAAGATTGACTTTAGAGGTTTTGGTTT

>trans\_c\_9475 XM\_002865909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FTSH11, mRNA

GTTGACCTAAAGTACCCAACAAGTCTCGTTTCATGCAAGAACTTATCTCAACTATACTTTTCACTGTTGCTGTT  
GGATTAGTATGGTTTATGGGTGCTACTGCACTTCACCCCGCACGCAAAG

>trans\_c\_9476 Novel Gene

ACCTTTGCTTAGGCTCTCTTCGAGCAGTGGTCTTTGCTCCAGGACTATTTGGTTGTACTAACGTTTTAACTTAGA  
GGCCTAGCGAGGACGTTTCTTTTATGATGGGGGGGACGAGAGAGAGTAG

>trans\_c\_9477 Novel Gene

AGCTCGACTTGCTGCGTGTCTTCTTTGCTTCTCCGTCAAACCGTCCGAACCCCTTGTTTATCCACAGGTCTCATT  
AGATAAGGACACTCAAACGAGTCCAGAGGCTCGACTCTTGAGAGAGGAG

>trans\_c\_9478 EU188918|Vitis riparia cryptochrome 1 (CRY1) gene, complete cds

TTCTCGGATTTGGCGAACTTAAGAAACAAGTTGACACTCTCTTCGCCAGCTTTGTTTCCTTCATTGGCCCATAAA  
ACCTGTTTCATTGCAACAAGATGGAACACTTTTCTCACACTTACCTCAC

>trans\_c\_9479 XM\_002952465|Volvox carteri f. nagariensis ABC transporter (mrp1), mRNA

GAGATGAACAAGGGTTCGACTCCATTTCTATGCAAAAGTCTTTAGACAACAAATTCGACACAGAATTCAGGAG  
GGTTGCTGTTGAGGAAGAGGTTGATCATGTCTACAGAGAGCCGTGGGTGTC

>trans\_c\_9480 CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

AAGACTGAGACAGAGACACCGAAAGAAACCGAACCAAAGCCCGTTGCACCTACCGAAACCAGTGCCAAACCA  
GCAGAGGTAAAGGATGAAGTAGTGAAGGTAAGTGCTGAGGACCCCAGTACAT

>trans\_c\_9481 EU785930|Picrorhiza kurrooa double WRKY type transcription factor mRNA,  
complete cds

AAACTACAAACCATAAACTTATAATACACAAAAGAACACATGATGACCACACAAACAAATCCTTCCTATAAT  
TCTCAGTGGGCCACGGGACGATAGTTACACATATCGACAAATCTACGTA

>trans\_c\_9482 FJ664262|Annona cherimola disproportionating enzyme 2 (DPE2) mRNA, complete  
cds

TGGGAGAAGGGAAACAGGAGAAAGGTGTTGTTACCTCAAGGATTACAGGGTGGGGAGGTCATCGAGCTCCG  
TGATCTTTGGCAGACTGGTGCAGATGCGATTCTTTCAAGAGTGCTTTCAAAG

>trans\_c\_9483 CP001334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 16, complete sequence

CGACTATATTGACTCCGCCCAACAAGGCTGAACCTCAGAACCTTTCCGGCGCTGCTTCCAAACCAGATCTG  
GAGACGAAGTCCGTTAGGGGTCGATTTTCCCCTTAGTAGGACTTAGGATA

>trans\_c\_9484 XM\_002886832|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase subunit K,  
mRNA

CCCACCCCATATAGCGCGATATTGAGCCTCGGGTTTAGGCGGACAACCCGGCAAATACACATCGACAGGAATT  
AACTTATCGACTCCCCGAACAGTACTATAGAGATCGGTACTGAACATCCCT

>trans\_c\_9485 AY094062|Citrus reticulata R1 mRNA, complete cds

CTCATAGTTTGATTTTGCAGGTTGACATATTTACTGAAGAAATCATCCGTTCAAGGATCAGCTTCCTCTTATCCT  
CACTTCTAAATAGACTTGATCCTGTTTTGCGGAACCCTGCTCCTGAACC

>trans\_c\_9486 Novel Gene

TTCAGGAAGAACACCATGACCACTACCAATTCGACAAAGAACTGATGAAGGCGAGGGCAAATCAGGACCA  
TCTGGTTGCCTCTATGTAAAAGTTAGCATAAGGAAAATCTTGCGAGATTTTC

>trans\_c\_9487 XM\_002331372|Populus trichocarpa trans-cinnamate 4-monooxygenase (C4H3),  
mRNA

AAAACGTGCAGAGACGAAATAGGGAAACACAGATCCACCTACAGTTGAGGGACAAATGAAACGTTAAAGTC  
AAAATGCAAGTCATCACAATAATGATGGGTTCTCTACTTCTTTACCTTTT

>trans\_c\_9488 XM\_002304310|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,  
ABC transporter family, mRNA

AATGCATTGTGTCCTTTTCTTGTCATGGGCTCTGTTGGTTTGGTTTACCAGCATTGTTGTTTACAAGGGCATTGC  
CAACGGTGGAGACTCCTTACCACAATGCTTAATGTTGTCATTTCTGGC

>trans\_c\_9489 NM\_001052234|Oryza sativa Japonica Group Os02g0119200 (Os02g0119200)  
mRNA, complete cds

ACAAAACCTGTAAACACCATCCATTGCAATGAAACATTGGAACAGTCCACAAATACACAGGAAGCGAACACAT  
ATCATTCACTAGGACTGCAGATAGTGCATTGAGATATGCGCCTCTATGGGA

>trans\_c\_9490 DQ629319|Davallia fejeensis large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

GTCCTCTCGTACTAGGAGCAGCCCCCTCAATTCTTAACGCCCACACCGGATATGGACCGAACTGTCTCACGA  
CGTTCTGAACCCAGCTCACGTACCGCTTTAATGGGCGAACAGCCCCAACCC

>trans\_c\_9491 NM\_202317|Arabidopsis thaliana MSL3 (MscS-LIKE 3); ion channel (MSL3) mRNA,  
complete cds

TGGTCTGAGGCACAATCCTGGAAGTCTTCAGCTCTTACGGAGTGTAAGTCGCCCAATGTATCCTGTGTCTTCCA  
GAGCAAATGTTTTGTGTGTCGATCTGTTCTAGAATCAGGTGGCGGAGCT

>trans\_c\_9492 NM\_001072991|Oryza sativa Japonica Group Os12g0235800 (Os12g0235800)  
mRNA, complete cds

AAACTCAACGAAATCGGCGGGAAACACGGCATCGGCCGAGTCGACATGGTCGAAAATCGTCTTGTTGGCATG  
AAAAGCCGTGGTGTGTACGAAACACCAGGAGGAACCATCCTATTCTATAAAAA

>trans\_c\_9493 NM\_118947|Arabidopsis thaliana binding (AT4G28080) mRNA, complete cds

TATTAATGAGAGAGAACTTGGACTTGACCACCCTGATACAATGAAAAGTTACGGAGATCTAGCTGTTTTCTACT  
ATCGACTTCAACACACAGAACTGGCATTGAAGTATGTTAACCGAGTCCCA

>trans\_c\_9494 AJ131520|Tropaeolum majus mRNA for alpha-D-xylosidase

CCGGCGGCGGCATTCTCGGCTTCCTTCAAGTCAACACCAAAACCCAAATTTACGGCCCCGATATACCTTTCTTG  
CAGCTCTATGTGAAACATGAAACAGGACCGTTTGAGAGTCCATATAACAG

>trans\_c\_9495 XM\_001694944|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CAATCTTGAGCCGAACAGAGCAGCGGGGAAAAGTATGCTTGAATCACCAGGATCATTTACTGAGGAATCCTG  
GACCAACGGCCCGTGTAAACACACCCCTATCGTCGACTTCGACTTGGACTTCT

>trans\_c\_9496 NM\_001185401|Oryza sativa Japonica Group Os01g0354700 (Os01g0354700)  
mRNA, complete cds

CTCCTAGGAGAGGGGCAAGCCGCAAAGACACACAGTCCAGGTCGCCAGCCAAGTTACACGAGCGCGCACTCC  
CCCGCTCATTGTGCCAAAGCCTGTGGTGGGGCACACTCCCGCTCCAACCACC

>trans\_c\_9497 GQ997946|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 4L protein (ndhE) gene, complete cds; chloroplast

CAAGAGCTCACACCCCTTATGTGTCTTGAGCTTATACTGAATGCAGTTAATATGAATTCGTAACATTTCTGAT  
TTTTTGATAGTCGCCATATAAAAGGGGGCGCCCTCACGCCCCCATA

>trans\_c\_9498 AY525163|Cucurbita pepo omega-6 fatty acid desaturase (FAD2) mRNA, complete  
cds

TACGGAGTTCCACTTCTGATCGTAAACGGATTCTCGTCCTAATCACATACCTTCAGCACACTCACACAGCACT  
GCCCCATTACGATTCTCCGAATGGGACTGGAGAAGAGATATGAACCGAA

>trans\_c\_9499 HM008388|*Acer pectinatum* subsp. *taronense* voucher JLI 5631 internal transcribed  
spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed  
spacer 2, partial sequence

TGCTTGACGACCATAGAGCGTTGGAACCACTGATCCCTTCCGAACTCAGAAGTGAAACCTCTTAGCGCTGA  
TGGTAGTGTGGGGTTACCCATGTGAGAGTAAGTCATATATCAACCATCTTA

>trans\_c\_9500 EF091573|*Solanum lycopersicum* lanceolate gene, complete cds

GGCCGCCATTGATGAGCTCGCCGAGCTTCTGCATGGCATCCGAGCACAGGAAACGCATCCACACAGGGGGA  
GGAGCAGCAGAGTCTGAATGATGAGAACGAGAATCTACTTTCAGTCCAATA

>trans\_c\_9501 X75898|*S.oleracea* pgm mRNA

AAAGATTTTCAGAGATAAATTTTTGTTGGCAAGTGGATGCGATCGTTTCTCGATGTGGATCAAGTGGAGAAGT  
TCATAAACACTGGACTGTGAGATAATGACATTGAAAACCTGCTGGTAAAAC

>trans\_c\_9502 EU017010|*Musa acuminata* photosystem I P700 apoprotein A1 (*psaA*) gene, partial  
cds; chloroplast

GAGAACAAGTCCCGACGGAAATGCTGGAACCTAAGACAGTAGCCAATCCCCAGTTGGTTTGATGGCGGTGGC  
GATGGTCGTTGTAATCTCTTTTACGGTGTTCTTTACCGATCACGTACGCC

>trans\_c\_9503 Novel Gene

GACCTAGGAGTTGTTCCCGGTATCCTCAAAAAAAGGTTTTATCCATCCCACCGAAGGACTTGTTTATGGAA  
CTGAAACCTGAATGTTCCCGGTCCCACTCCGCGTTCCATCTAATTCCTT

>trans\_c\_9504 AY094062|*Citrus reticulata* R1 mRNA, complete cds

CTCATAGTTTGATTTTGCAGGTTGACATATTTACTGAAGAAATCATCCGTTCCAGGATCAGCTTCTCTTTATCCT  
CACTTCTAAATAGACTTGATCCTGTTTTGCGGAACCCTGCTCCTGAACC

>trans\_c\_9505 FJ107236|*Pinus taeda* isolate 5506 anonymous locus UMN\_1217\_01 genomic  
sequence

CCATTGGTTCAGCCTGAGCAGAGTCAGCAGACAACAGAAGCAGAAGATGAAGATGATTTTCATGGTACCGGTA  
TACAACCAATCGAGGATGGGTAAAAGTGGAGTTCAAATAGTGACCACAAGT

>trans\_c\_9506 XM\_002297618|*Populus trichocarpa* 10-formyltetrahydrofolate synthetase  
(FTHF51), mRNA

AGCATTAAGACAAAATAGAAGCCATAGCCAAGTCCTATGGAGCTAGTGGGGTGGAATATTCAGAACAGGCT  
GAGAAACAGATTGAGATGTACAGCAGGCAAGGGTTTTTCAGCGTGATACAGCC

>trans\_c\_9507 FJ574953|*Boechera stricta* ecotype ID70 locus *Fdh*\_Song genomic sequence

TCGTTCTTTACATTTCTTCCAAAGATCTAATGGAAATCGGAGGGGAAGCTCTCAAACCAACATAACGACGCTT  
GGACCTCTCGTCCTGCCATTCTCCGAGCAGCTCCTCTTCTTTGCAACTTT

>trans\_c\_9508 AB491669|Coleochaete scutata gene for 26S rRNA, partial sequence, strain: UTEX  
LB2567

ATAAAAGAGAAACAGGCGGAGCACAAGAGACGTGAGAGGACAATGTAACCTCAGCTCTGACCTAGACCACTTT  
GAGGAGGGACCCGCTGATTCTGCCAAGCCCGTTCCCTTGGCTGTGGTTTCGC

>trans\_c\_9509 NM\_001051777|Oryza sativa Japonica Group Os01g0923800 (Os01g0923800)  
mRNA, complete cds

TGACTTCTCTTCAGCAGCTCAAGACCATTTCTACGCAGAGAAAAACAAGAAAGATGTTTTGGGGGATGACTCT  
TTCATGATTGAGACTCGATCATTAGTAGATGACCAATCTGACTTTCAGCTC

>trans\_c\_9510 Novel Gene

GGAAGGAGGAGGCAAGACCCCCATCTTCCGCATATCTTGCTCATCCGACATGGCATGAATCACCGAACCTGC  
ACTCAGGAATAGTAATGCTTTGAAAAAGGCGTGATTGGTGGAGATGCGGG

>trans\_c\_9511 FJ909581|Zea mays subsp. mays Mu transposon insertion Mu1007208 flanking  
sequence

TCGTCTCTATCTTCATATTCCAACAACAAAATCATCCATTTGATCGGTAAATTCTCTCTTTTTCTCGTTTACGC  
GTTTTCTTTGAATTGGAATTTTCTTTTGATCTGCCATATAGGTCTCCC

>trans\_c\_9512 XM\_003062023|Micromonas pusilla CCMP1545 cold-shock protein, mRNA

CGGCTCAATCCGAAGGAAATTATGCGGAAGCTCTACAGACGGCGGCGTCCTAGCGTATCAGCTCCCGATCGA  
AAGCGTCGATCCTGGCGCGCAGAGCGCCACGCTTGAGGCGAACACACCCCTT

>trans\_c\_9513 NM\_001067141|Oryza sativa Japonica Group Os07g0673200 (Os07g0673200)  
mRNA, complete cds

ACTGGTTAATTATGCATTGATGAACGCCATTGCAGTTAGGAAGATCTTGAAGAAATATGACAAGATTCATTAC  
TCCAAGCAAGGGCAAACCTTTAAGTCACAAGCTCAGAGTAAGCACATCGAG

>trans\_c\_9514 M32603|Tomato ATP-dependent protease (CD4A) gene, complete cds

GATGAGATTATCCTTTTTATTGATGAGGTGCACACATTAATTGGAGCAGGGGCCGAGAAGGAGCCATTGAT  
GCAGCAAATATATTGAAACCTGCCCTCGCCTCTCACCTTAGTACAGTACGTG

>trans\_c\_9515 EU002219|Datisca cannabina NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 5 (ndhF)  
gene, partial cds; chloroplast

AATTTCTTAAAAATGCAACTTTTTCTGTGACTATAGCTTATTTCCGAATATTTATAGCGTCTTCTCTATAAGCC  
CACTTATTCATCTTTACAAATAAAATTAATCGTATAAGTACCACACT

>trans\_c\_9516 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TGTTGCACGGGAATTGATCCTATTTTATAGGAGTGAATGTATACATACTTGTTTCATCATTCAAAAACCTATTCG  
GGAAGAAGTTTCCCTTATTAATTCTGTTTTCTTTTTTATGGGTCCGCCG

>trans\_c\_9517 XM\_001694925|Chlamydomonas reinhardtii glycerol-3-phosphate acyltransferase  
(PLSB1) mRNA, complete cds

TGGTTTGCTTAAAAAGAGAGCTAGATCCTGGAGGGCGACGGGCAACTCCTCTGGCGTGTGGGCACGCGGTCT  
TTTGAAGGCCCTGGCCATATCCGCGCCTGCTGTACAGGGTAACCCTTCAAG

>trans\_c\_9518 FJ014479|Camellia sinensis 50S ribosomal protein L5 mRNA, complete cds

TTATGCCTCATTGGGCCGAGACAATACCACAATTCACCACTATCTTCTCAATTTTGGGGACCTGGTGGATATTA  
GAGTAGGAGAACTCGTCCATAAGCAACGGCACGATTTTCTCGATGTAATT

>trans\_c\_9519 AB443612|Camellia gigantocarpa chloroplast DNA, atpl-atpH spacer region,  
specimen\_voucher: NIFS No. 917

AAACCCTTTCTTTTAAAGATTATCCCACATGGAGACAATCAATCTAAATGAACGAATTCATTAGTCCGAATCCTT  
GCATAGAAATATCAATATTTTATTAATCTAAGTTCATGTAATTTTTTTT

>trans\_c\_9520 NM\_001189325|Oryza sativa Japonica Group Os10g0541200 (Os10g0541200)  
mRNA, complete cds

TCAGGTAGCTGTTCAGAAAGGGGACCTAAACAGTACATGGAAGACGAGCACATATGCATCGATGATCTTGTT  
GAACATATCCATGCTTGTGAAGATTTCCTTCTCCTGGAGCTTCTCGCAAC

>trans\_c\_9521 AY021735|Oryza sativa microsatellite MRG4060 containing (TA)<sub>34</sub>, genomic  
sequence

CCCCTCGGGCGTCTCCCCCCCCGAGAATAGACCAAGGCAATGTATACATGGCTCAAGATAATCTACTTAGGGA  
ACATAAATATACAAATAATCAAAAAATAAGGAAAACGCGCGTCGCTCGAA

>trans\_c\_9522 DQ629354|Aristolochia macrophylla large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

TGGTTGTGTTCTGATGACAGGGGAGCCGCGACCGAAGCCCCGGTGAACGGCGGCCGTAACGATAACGGTC  
CTAAGGTAGCGAAATTCCTTGTCTGGGTAAGTTCCGACCCGCACCTTCCGCA

>trans\_c\_9523 NM\_118086|Arabidopsis thaliana NPR4 (NPR1-like protein 4); protein binding  
(NPR4) mRNA, complete cds

GTGCTCACAGGAGCTCGTTAATAAAGGGCGTTGTCGACCTGTCTCCACTGTTTTATTAGAGCTTGCATTCTTG  
ACTGGAGTCTCTTGGTTTCTACAGATGGTGTTCATTCAAGTCAACCTT

>trans\_c\_9524 NM\_001186029|Oryza sativa Japonica Group Os02g0470600 (Os02g0470600)  
mRNA, complete cds

TCATCTTTCAAATACTGAGCGCCGAAGAAGGCTTGATTTCAACCAATGTTCCATCCAAATTTGCTCCCAAACCC  
AAGGAACTGAAATTGAACAAGGAAAAGGGTGACTGCTTGTTTTTTGCAA

>trans\_c\_9525 FJ708741|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

AAGTTCAGTATTTGCATCCTAAGAGCAAAACCCGCTTGAGAGGAACAGGCTTGAAGGAAAGGAAGACCAACT  
GAGGTCCTGAACTCGCCAAGGGAGGCACCGATTTCGCCAGAAAATTTGGAC

>trans\_c\_9526 NM\_126764|Arabidopsis thaliana ribosomal protein S4 (RPS4) (AT2G07734) mRNA, complete cds

ACCCACATTTTCCTTTCATGGGGATTTACCCATCACAGAGATGCACAGAGGAAGAGAACGAACCTTCTTATATC  
CCTTTTCTACTCAATCTAGAAACAAGATTGGACGTTATTCTGGTTCGTC

>trans\_c\_9527 GU576635|Liquidambar formosana voucher Wen 5537 external transcribed spacer and 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTGCTAACGGCAAGGGCCGTGCCGACGAAGGCGCGGATCAGGGTGCTCTTTAGCCAACTCTGGTCGCCAAC  
GGTCTGACTGCGTCCTTCTGTTCGGGATAGAACCCGGCTTAGCGGCTCTT

>trans\_c\_9528 XM\_002948319|Volvox carteri f. nagariensis NADH:ubiquinone oxidoreductase subunit 10 (nuo10), mRNA

ACCCAGAGGTCTCCATCAAAGTCTGTGAATTTCTTTGATAGGCTTGATTCTTTCATTGCGTTTTCCCGTCTTTTT  
TCTTGCATTTTCTTAGTTTTTTCGAATCTTTCGCCTTGGCCGTACAG

>trans\_c\_9529 Novel Gene

AACAGCAACAACAGCAACAGCAGCAGCCGTCGTCGCAACAGCAGCAACAGCATGCTCAGTCGCAGAGACCTC  
GTAGACAGGGGTCAACAAGTAAGACCGGAGTATCTCAAGCCAAGCTGGAAG

>trans\_c\_9530 DQ465410|Vitis vinifera KUP2 mRNA, complete cds

AGTTCCTTTCGTACCTCCTGCTGAGCGATATCTTGTGGGAAGAGTTGGCCCAGCTACGCACCGGTCATACAGG  
TGCATTGTTCCGGTATGGCTACCGTGATGTTTCATCAGTTAGATAAAACCAG

>trans\_c\_9531 FJ708723|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

GCAAGCTTCAAGAGGACCCCCGAGAGAGAATTCCCCAAAAGGAACTCGAAGAAAACGACTGCAATCCCTT  
AGGAACCGACCCATTTAACTGATTGTTAGAAACGTTAACTGATCCAGATG

>trans\_c\_9532 GU250878|Triticum aestivum glucan water dikinase mRNA, complete cds

TTAGGGTAGATAAAATTCAGCGCAAGACGAGGGACTTGGTGCAACTTGTAATCAATATAAATCTCAACCTAT  
AGAGGAAACATATACAGCCAAACCAAAAGCCTTGACAGAATTTGAGAAAT

>trans\_c\_9533 AY942801|Cucumis sativus male-specific 10-2 (M10-2) mRNA, complete sequence

CTTGTTTTTCTTGTGGTGGAGGTCCAAGTTCAGGTTCGTCTCATATAAATTTCCAGATCTAGTTGTCTATCCAC  
CGTCTTCAGTTTGATGGGGTCGGTGTGACATAACACGGTACTCC



>trans\_c\_9534 NM\_001068938|Oryza sativa Japonica Group Os08g0543900 (Os08g0543900)  
mRNA, complete cds

AACCAGAATAATGAGCTGAAGTTCCGTCTCCAAGCCATGGAACAGCAAGCACAACACTGCGGGATGCTCTAAAC  
GAAGCGTAACTGCTGAGGTTGAGAGATTGAACTTGCTACAAAATCGCGC

>trans\_c\_9535 AY858609|Achatocarpus praecox NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene,  
partial cds; chloroplast

AAGAGAATCTCAAGAGGCAGCTTTTTGGTAAGTTTCTCCCTATCCCTTCTTCAATATTTATGATCTGAATCATC  
TGACTGCTTGTTTTCTTTTTTACATAGTTTAGCCCGACAAGATTC

>trans\_c\_9536 Novel Gene

CCTATCACTCTACTGTCTGATATCAATGTCAAATACTGGCTTTTCTGACCCAGATAATTGGATAACGGTAAAT  
AAACTTCTAATATCATCTTAAATCACTAATTTAACTGAGACCTAGGAG

>trans\_c\_9537 XM\_002876544|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata integral membrane single C2  
domain protein (NTMC2T4), mRNA

GGGCATTCGTATTTGGTTGAGTTGCGATTGCTCGCATCACTTAACACACTGAAAGTGAAAGACAAGAAAGATC  
GAGGAACTCTTACGATCAAGGTTCAATACCATGAGTTTAAACAAGGAGGAG

>trans\_c\_9538 NM\_122947|Arabidopsis thaliana DENN (AEX-3) domain-containing protein  
(AT5G35560) mRNA, complete cds

TTTTACAAACACGCCAACTATGTAAGGAACAGGAGCATCCAAAAAGTCCAGCATGTCATTTGGTAACACCGGC  
ATCAGCAAGCTTTGCCACTGGTAGGGTGAATCATAGGAATAATGGATAA

>trans\_c\_9539 AF479086|Mirabilis jalapa 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

ACGTTTGGCTGATCGAAATAAGGTGATTTTTTTCGGGCTGTCTGCCGCGCGACAGCGCGAACTTCGAAAGGGA  
ATCGGGTTAAATTCCTGAACCGGGACGTGGCGGCCAGTAATGGTTGCCC

>trans\_c\_9540 NM\_001058066|Oryza sativa Japonica Group Os03g0793500 (Os03g0793500)  
mRNA, complete cds

AAGAAGATGAGCAACCTAAGAAGAAAGTGAGGTTAGGTAGTCCTGCTACTCAATGGATATCGGTTTATAATG  
CACGTCGGCCCATGAAGCAAAGGTACCACTACAATGGGAGCGCGGGTGTTT

>trans\_c\_9541 NM\_001050916|Oryza sativa Japonica Group Os01g0771000 (Os01g0771000)  
mRNA, complete cds

ACAGTCCGCCGCAAGAGGCCGAGTTTGCATCAACGTTGGGAAGGGTATCTCCGGGAGAGAATCAACGGACA  
GAAACCGATTTTCGGAGTGCGGAGTGATGACCGACGATTGTAAGTAGACAAG

>trans\_c\_9542 XM\_002869593|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata multidrug resistance protein 2,  
mRNA

AGTCAGTTATGAAATCATTCATGGTTTTGATAGTAACTGCCTTAGCAATGGGTGAACTTTGGCACTGGCTCCT  
GACCTTTTAAAGGGAAACCAAATGGTGGCATCAGTGTGTGTCACACGTT

>trans\_c\_9543 NM\_001186711|Oryza sativa Japonica Group Os03g0744650 (Os03g0744650)  
mRNA, complete cds

AGAAAAGGTTGGTGATGTTGTCTTACCTCCATGGGCCAATGGCAGTGCTAGGGAGTTCATCAGGAAACATAG  
AGAAGCATTGGAATCCGACTTTGTTTCGGAAAATTTGCATCATTGGATAGA

>trans\_c\_9544 AF315614|Alectryon subdentatus chloroplast 30S ribosomal protein S16-like gene,  
partial sequence

TGAAATGCTTAAGCTTAAGGGTTTTTTTCTTTGCGTGAGAGTTATCCAACCTTGAGTTATGGGGATAAGAATGA  
GTTTTTTTTTTGGGGGAAAAACAAAAAAAAAAAAAAAAACCCCCCCCCTT

>trans\_c\_9545 NM\_114697|Arabidopsis thaliana BT2 (BTB AND TAZ DOMAIN PROTEIN 2); protein  
binding / transcription factor/ transcription regulator (BT2) mRNA, complete cds

GAAGGAGAGAGAACCCTGTAGTCACTACTCAACGTGTCATGGTCTCCAGCTTCTGATCAAACACTTCGCCACG  
TGTAAGAAACGAACCAACAGCGTAGGATGTAAATAACATGGATATATGCC

>trans\_c\_9546 Novel Gene

AGAGATTTGAGAGATTTTGTATTGAGAAGAAACCGTTTTACCTTTGTACTCAAATTAGAATACTTTTCAGGGA  
AACCAACTAATAAAATTACCGCGTGTTCACCTATTTTCATTGCCACAAA

>trans\_c\_9547 NM\_001060924|Oryza sativa Japonica Group Os05g0102900 (Os05g0102900)  
mRNA, complete cds

AAAGGGGTGAATCAGTTGATGATAAGATAAAGAAGCTTGATGTTGAACTCAGTAGATATAAGGAGCAGATCA  
AGAAAACGAGGCCAGGTCCAGCTCAAGAAGCTGTCGGTAGAGCTCGCTAGA

>trans\_c\_9548 DQ160049|Taraxacum officinale TO42-3rc (To42-3rc) mRNA, partial cds

AAGCATGGGAACAAATATGGCTTCGTATGATGCTGCAGTTCTCAACGGGAAACTTTTAGTGACAGAAGGCTG  
GCTGTGGCCTTTCTATGTGGCTCCAAGGGGACAAGTTTATGATCCAACAAC

>trans\_c\_9549 XM\_002886249|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

TCTGCTTGGAGTTTTCTCCTCCCAGGTGTTCCAAGAATCTCCACAAGATAAGATGTGGAGAAGAAGCCACTCA  
CCAATCTATGAAATGGAGAAGCATTGCAATATTGAAATAGCAGCAGTTTA

>trans\_c\_9550 NM\_121539|Arabidopsis thaliana plastocyanin-like domain-containing protein  
(AT5G15350) mRNA, complete cds

GATTCAGATCTCTACCTCGTCGGTCAATTAACCTCATCAATTCACAAATTCTTGGTGCGGAAGACAAAATCTTTC  
CTATTTGAAGTCAGTGATTGTTGGTTTGCATTCTCATACAGTTACCTC

>trans\_c\_9551 NM\_001059605|Oryza sativa Japonica Group Os04g0474800 (Os04g0474800)  
mRNA, partial cds

TGACGATGTGCCTTTCTCAAATTCGCCTAACAAAAGCTACACTTCTGATATGCACGTCTCACTTTCTGCGGATA  
GAGATGGCGATCTAATTGGACCAGCGACTGGTTTGAAGTGGCTTTACAT

>trans\_c\_9552 X77260|*B. oleracea* L. gene for aspartic protease (partial)

AGTTTGACATGGGCGATGTTCTCATAGATGGTGAACCAACTGGATATTGCGAAGGTGGCTGTTTCAGCAATTGC  
AGATTCTGGAACCTCACTTTTGGCTGGTCCAACCTACTATTATAACCATGA

>trans\_c\_9553 Novel Gene

AAAACCTCTATTTTTTTTTTTTTCTTTATTTTTTTTTATTTCTTTATTTTAAATATTAAGTCTATGCTATTATTAACTT  
TTCTTTTGATAAATATTTTCATTATATTTACGGCTTACTACGTT

>trans\_c\_9554 XM\_002324035|*Populus trichocarpa* pho1-like protein, mRNA

GGTCCATCTCCATGTCCATATGTGAGAGAACACAAGCCAATGTGAGCACAGCAAGACCTGAACTAAGAAAAA  
AGACCTCCCGGTGACCCAACCTCTGTTCTTCTTTGAAGCCGAACATGAATG

>trans\_c\_9555 NM\_122291|*Arabidopsis thaliana* TUB8; structural constituent of cytoskeleton  
(TUB8) mRNA, complete cds

TCTGTTTTCTCTCTCGTTTTTCAGTTTCGATTTCAATTTCACTTCCCATTCTTGTAAGATGCGTGAGATTCTTCAC  
ATCCAAGGTGGACACGTGTTACCAACTCGATTGTAACCTGGAGTGG

>trans\_c\_9556 XM\_002873676|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* U-box domain-containing protein,  
mRNA

CTCCATCAGCTTCACTGGTGGTGGCATGCAAATCTATGCTCACCAACTTTGTACCTGGAAAGTGAAATTACTAT  
GTAATGTTCAACACCTAGGGACCGGGTGTGTAACACCGATCCACGTTT

>trans\_c\_9557 CT028446|Poplar cDNA sequences

CTTTGGATTCATTGAACCATCAGGAAGAGGCTCCATTCGAGATGGTTGCTCACCTCCCTCACCTGTGTTTGACT  
TTCCACCAATTTTGTTTCATAGCCATGGCCAAAGTAGTGTGCGCCTCCAG

>trans\_c\_9558 GU292049|*Gossypium hirsutum* dehydration-induced 19-like protein (Di19-1)  
mRNA, complete cds

TCCAATGCTGCGCTGACCCATTACTTTTCATCATTTATTCTACCGTTAGCTGATGACTATGGCAGTGTTCAACCA  
CACTTGTTGGCTGAATCAAGCTCCGTCTTCAGTAATTCTCAAGACAAA

>trans\_c\_9559 DQ390546|*Austrobaileya scandens* ATP synthase alpha chain (atpA) gene, partial  
sequence; chloroplast

CCGGCTACTTGTTTCATGGCTTTATAAACAGCTGCAGATCCTACTCTGGAGACGGAAATACCCACATTAATAGC  
AGGTCTGATTCCAGCATTGAATAGATCGGCAAATAAGATATAAAATCAG

>trans\_c\_9560 U37840|*Lycopersicon esculentum* lipoxygenase (loxD) mRNA, complete cds

CCAAATGCTTAACAATAGTTTCTTTAATGTCTTCCTTGTCTTGTCTTGATAGTTACAACGGCTCTGACCTTGTA  
CTTAACCGGCTTCTCGTAACCTGGGACAACCTTGACTAAATCCTCAC

>trans\_c\_9561 Novel Gene

TGCATAGCCTTTTGAATAACCAGAAGGTGCTAATTATTTTCCACACCGTTTGGTTCAGACAAAGGCTTATATC  
AATTGATCGGATATATTATAATAAGGCGATAATCCGATACGGTCCCCGT

>trans\_c\_9562 AB458506|Malus x domestica MdFT1 gene for flowering locus T like protein,  
complete cds, cultivar: Fuji

AATTTGCTTTGAGGGTAAGGAAATGCTTCTCTGGAGCCATCTTTTGAACTGAAACTTGTGGTCTCTTTGCA  
TCCGTTTCTCCTTTAATGATTATCGGCGATCGCTGCGCTAAATATCTG

>trans\_c\_9563 Novel Gene

GGTAACTTAAGTGGGAGAGCCGTGTTATGGGTGACCTTATTGCACGGTTCAGAGAGCACTTGTGTATGTGAT  
GCAAGTGAACGTGTACGAAAAAGCTGTAGGAAAGTGAGTTCTTCGTTCCGT

>trans\_c\_9564 XM\_001693490|Chlamydomonas reinhardtii glyoxal or galactose oxidase (GOX13)  
mRNA, complete cds

GGCGGGCGAGGGGAAAAAAGGGATCTCTTACCTTCAACCTCTTCACGATCAAGCCTCTTAAGGTTGTGGAGG  
CTTCCGACCGAGGCAAAGCCTTGGTCTGACGTTCCCCAGAGCCCCAGAGGA

>trans\_c\_9565 AB095515|Arabidopsis thaliana transposon CAC5 DNA, complete sequence

TTACAGTTCTTCTGATGGACAAATTTTCCACTGAGACTGGGACAAAGATCAAGGATTTACTTTCAGTCGTT  
GCTGAGTTTACTTGTCAAAGAACTCTTAGACCAAGATGTCCAATCAA

>trans\_c\_9566 Novel Gene

CCCCCAGATTGATTCGATATATGTATGTTCAATTTTATGGATCTCAATTGATTCCTCGTTACTGTTCAGAAGAT  
AAGTAATAGGTAGGGATGACAGGATTTGAACCCGTGACATTTTGTTC

>trans\_c\_9567 AB455224|Volvox carteri f. nagariensis invC gene for InvC, complete cds

AACAGTGCTTCCCCTGCTCAAGCTAGCGCAACAATGTTGCCTGTCAATTCTGGGCTTATTATCATCCCTTTACT  
GTCTATGGAGGTGGTAGTGCTGTTGTCCCAATCGATGGCTTGTTCCTT

>trans\_c\_9568 AF020272|Medicago sativa cytosolic malate dehydrogenase (cmdh) mRNA,  
complete cds

TTCCCCGTTACCTGCCGTGACGGTGAATGGTCAATTGTGCAAGGACTTTCGATTGATGAATTCTCTAGGAAGA  
AACTGGACTTGACTGCTGAGGAGCTGACCGAGTCCCCACTACACCGACGT

>trans\_c\_9569 XM\_002874108|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB3009, mRNA

TGTGACGTGACGCCATACGTGGACGGAGAGTGATTGGAAAGTGGAGAATGGAGTTGAGCCGTCCGTTGTTG  
GTGGATTTGCTGAGTTCACTTTTGATTTGATCTTGTTAATGGCCGTTTCTGT

>trans\_c\_9570 DQ001751|Rosa hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TTCATGGACGTTGATAAGATCCTTCCATTTAGCAGCACCTTAGGATGGCATAGCCTTAAAGGGCTCCGAAGGG  
TTCAAACGAAGAAAGGCTTACGGTGGATACCTAGGCACCCAGAGACGAGG

>trans\_c\_9571 NM\_001062950|Oryza sativa Japonica Group Os05g0578900 (Os05g0578900)  
mRNA, complete cds

ACGCCGCCCCAAGGGGCAGCAAAAACAGGTCTGTTTTGGATGAGATTGGGGAAAGAAGGAGAAGGAGTGT  
TGTTATTATTGGAAAGCCTTGCAGAAATAGCAGAAGAACGAATGATGTTAGG

>trans\_c\_9572 NM\_001068036|Oryza sativa Japonica Group Os08g0305300 (Os08g0305300)  
mRNA, complete cds

TGCATTAGATTTGTTTCGTCTAAATGGAATTCTTTTCACACGCACAAGCCTAGAGACCTTTACAGAGGTTCTCTCA  
TTGGTTATCAGTAATTTCTCCGAACCTTTGGCTTGTGGACCTGACTCG

>trans\_c\_9573 AB009030|Panax ginseng OSCPNY1 mRNA for beta-Amyrin Synthase, complete cds

TAAGGAGTTAAGAGTTAAGACGTTGCATTGCATGGAGAAGTAGTGCCTGCGTAATGTTATATTATTTCTGCT  
TATGGTTCAGTTTGAAAGGAAAAAAGGTGGTGGTTAATACTGTAAACAC

>trans\_c\_9574 Novel Gene

ATTGATAAGTATCTCTCTTAATTATAAATTAACACAGTCAAAGCTCATACTGAACTTCGAACGAGATAAATC  
ATTAGAGTATAGTGACGTTTTGTTGAATGGTGGAGCCTGATAGGAAGA

>trans\_c\_9575 DQ399825|Lycopersicon esculentum GRAS2 (GRAS2) mRNA, complete cds

GGGCGAGCACGGCGCCTCTTGCTGTAGCAACCAAGTTATCAAATCCTTCATCCTGTTTTAGATAAAGCTTTT  
GCACAAGCAATCAACAAGTCTTTCAAATTATCCGATGGCAATCCTCCCT

>trans\_c\_9576 NM\_001067187|Oryza sativa Japonica Group Os07g0681300 (Os07g0681300)  
mRNA, complete cds

ATTTGTTGCAGTCGTGTCAAGGTGGCCGTCAGGACAAGCCTGAGCAAACCTCAGAGCGGATACGGTCTTGCCA  
TTCGGGGTGGAGAGCGAGGAGCATCAAGGACCAAGTGGCGGCCACGGCAGT

>trans\_c\_9577 GU214953|Manihot esculenta voucher WIS:NIC 625 internal transcribed spacer 1,  
partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2,  
partial sequence

GGAGAAATTAGCCGCGGAAACAGAGGCCAAGAATCTAACAATCCCTGTTATCGATCTACAAGACTCTCACAAA  
AACAGAGCACAATAATAAACGAAATCAAAGACGCATGCAAGTTAAACAA

>trans\_c\_9578 AB112671|Cucumis sativus CsARF1 mRNA for auxin response factor 1, complete cds

AGTTGATGTTCACTCTTTAATTCAGGAACAGACGTTGCAGCAGGATTTATCTCAAAAACACAGGAACATGAT  
GCAGGTACACTTCTGATCATGGCCCGCTGCTCTCCTTACTGACTGGTGGGA

>trans\_c\_9579 NM\_201706|Arabidopsis thaliana cytochrome c biogenesis protein-related  
(AT2G07771) mRNA, complete cds

TGTCATCTGGGAGTGCCTGAGACAAAGGGGAAGTTAGCAAAGTTAGACAAGATTGGAATGAGCATAGAAAC  
ATGTATTGATGTACCAAATCCGCTAATGCTCCCAGGTTGATCCTGGGGTCGC

>trans\_c\_9580 AB270792|Malus x domestica MdSFBB9-alpha, S9-RNase, MdSFBB9-beta genes,  
complete cds, Psi-SFBB9-alpha, Psi-SFBB9-beta pseudogenes

CCTTTCCAAAGAGAAGGAGGGGAAAGAGTAGAGGGAAGATTATTTACAAAATATAACTGAAAAGTAGATGGT  
TCTAAGGCTTGATCTTCAAAGAAGATGCTCTGGTTAATGATCTTGAATAA

>trans\_c\_9581 Novel Gene

ATAGTTTACCACTGTTACCTTTGCTTAAACTTCAAACTTCAACTTCAACATGCATCTGAAGGCGTTTCTTGTA  
GAGTATATAGATTTAGATTTGAGGCTATTTGGTGATCTTCTATTAGCC

>trans\_c\_9582 NM\_112282|Arabidopsis thaliana subtilase family protein (AT3G14240) mRNA,  
complete cds

TGGGGCTCGATTTTCTGTAGTGGGTACGAGGCTACCAATGGAAAGATGAATGAAACCACCGAGTATCGCTC  
GCCGCGAGATTCCGATGGCCATGGTACACATACAGCGTCCATTGCCGCAA

>trans\_c\_9583 Novel Gene

AACCGAGGATGTGAGGGAAGGAGAAGAACTCAAACGCCAAAAGTCCTACAATCAAATCCTATCCCTTTTAGA  
AGAACAAGAAGAACAAGAAGAAGAAATTACACCGAGAAAAGTCTATGAGAG

>trans\_c\_9584 AL161505|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 17

TTTTCTTCACGAGGTTCTGTTTATCATGAGGAAATATCAGCAAGCTGGCTTGGTGTTGAGGTATTCTATTTGGA  
GGTACATTTATCACGAGGAGTGTGTTGATGGTTTTGAACTATCCATTGA

>trans\_c\_9585 AL161571|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 67

GAGGCCGGATACAGCTAATGCTATCAGGCCGGGGATATGATATCCGGTCCTAAGGGGATATTCAAGCTTCAG  
ATAGATTAAGGCTCTCCGTCACGCTCTCGTCGCGACTGAGGCTAGACAAG

>trans\_c\_9586 AY054643|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g70480; F24J13.5) mRNA,  
complete cds

AAGTTTTTTGGTTTTACTGGGAAGCACATTCTTTCATCAACAAATAGAGGCTCCACTCTCCAACACCCTTCAAAT  
CTCTTCATAAATCCAGCCTTCAGTTGCTTGAACGTCATTGAGTTATCT

>trans\_c\_9587 AB182927|Citrus lanatus mRNA for translationally controlled tumor protein,  
partial cds

CCTCCACAAAACCTTTGGAGCAGAATGCTTCATGTAGCATTATTAGTTTCTACTATATTTGCCTTTTTCTCATGAC  
ATTTGAATTTGGATGGTTTGGGCTGTTTTTGGGGGTTTTTAAAAACCC

>trans\_c\_9588 Novel Gene

CAATCAAGACGAAGCGTCTCGAAGAGAATCAAGAGCCCGAGAGCTTCAACCCAAAGGACACGGAAAGATTA  
GAACTAACGAATTGGAAATGAATCATGAAAACATAAACACGGAGAAATAAG

>trans\_c\_9589 AJ292767|Nicotiana plumbaginifolia partial mRNA for RNA Binding Protein 45 (rbp45 gene)

AGGAGGATATTATGGATATGGACAAGGATATGAAAATTATAGCTATGCTCCAGCTGCCCCAAGACCCTAACATG  
TTCTACAGTGGCTATGGTGGGTATGGGAACATGGTGCAACACTACATGTG

>trans\_c\_9590 AY103778|Zea mays PCO063180 mRNA sequence

AATTGGAGGATCCAGTTGAGAACATTGGCGCTAAGCTAGTCAGACAAGCTGCTGCAAAGACCAACGACTTAG  
CTGGTGATGGAACATACTTCAGTTGTTCTGGCTCAGGGTCTTAGGTTCA

>trans\_c\_9591 FJ176929|Medicago truncatula vacuolar-type H-pyrophosphatase (VP1) mRNA, complete cds

TCACCGGTATAGCGTTGTAAGATTGGGGTGGTCTTTTCGAGTCTATCACTGGGTATGGTCTTGGTGGATCTTCC  
ATGGCTCTCTTTGGTAGAGTTGGTGGTGGTATCTACATAAACGACTCA

>trans\_c\_9592 Novel Gene

GCTGCCCATTCCAAGACGAGAGACCAAATTCCAAATCCTAGATAGGAATCCAAGACCTGCTATTGTGCGAGAGC  
AAGAAGGGTTATTGTCTTAGTTGGGACACTCTACTATGTGTTCAAATTGA

>trans\_c\_9593 NM\_001052589|Oryza sativa Japonica Group Os02g0175400 (Os02g0175400) mRNA, complete cds

AGATGGCATGGGAGGTGCAGCCATGTATGAATTGGTTCGTGTTGGTCATGATAATCTGATTGGTGAAATCATT  
AGGTTAGAAGGAGATTCTGCCACTATTCAGGTTTATGAGGAAACTGCTGG

>trans\_c\_9594 XM\_002878212|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phytochrome-interacting factor 5 (PIL6), mRNA

AAAGCAGCCATGAATTATTGCTTTCCTGATTGGAATTTTGAGGGTGACCTTCCCCCAGCTAAGAAATCAACGG  
GACCTGAACATGATGATCTTGTGGAACCTTTATGGAGAAATGGTCAAGTG

>trans\_c\_9595 EU670744|Salvia miltiorrhiza 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase mRNA, complete cds

GCTGACAAGTACCATGGAGTCACAAAGTTTGACCCTGCTACTGGGAAACAACAGAAATCCAAGGCTCCAACG  
CAGTCGTACACGACATACTTCGCAGAGGCATTGATTGCAGAAGCTGAAAGG

>trans\_c\_9596 NM\_001186591|Oryza sativa Japonica Group Os03g0595800 (Os03g0595800) mRNA, partial cds

GGTAAGCGCTCTAATCTGAGCACAGAGCGAACTATTCTTTCGCCTTTTACTAAAGAATACCGTGTGCTCGAATA  
GAATAGCGCGTATGCGAATACCCACATCGTTTTACGCTCCCCCTCA

>trans\_c\_9597 AY486104|Fragaria x ananassa beta xylosidase (Xyl1) mRNA, complete cds

AAAACCTCCACACTCATCGCAATCAGATACAATATACCCATCTAGTCCCCAAGCACCTCGAATTGTGTTCTTAAG  
CAAATCCGGGTGAGCACAAGTTGGCTTCCCGTTAACCTGATTGTAAGA

>trans\_c\_9598 NM\_125676|Arabidopsis thaliana PEX14; protein binding / protein transporter (PEX14) mRNA, complete cds

TCCAGCTCCTGCACGAGCTACGATTGAGGATCATGGAGATGCGAAGGTGGAGGTTGAGAAGCAAACCTCTCC  
GCCATCGGTGTTTGTAAATTCTGAACCTATGAGAGAGGATCAAGTGCAAA

>trans\_c\_9599 Novel Gene

CTAAAGCCTCACAAGACCCGCCTTGTCTAGATGATTAAGAACTAAGGTCAATCATTCTCCCTAGAACTTGATT  
CTTTATCTAAGATCTTCAGCCCCTAAAAAGGGTATCCTGAGCAATTT

>trans\_c\_9600 EF590459|Lagenaria sphaerica voucher NMNH 06-8346 RNA polymerase B-like (rpoB2) gene, partial sequence; chloroplast

AAATACGATACCGCATCTTCAAAATTGTAACCTTCCCATGGCATATAAGCTACTAATACGTTTTTGCCCAAAGC  
AAGTTCACCACTGACTAGCAGCACCGTCCGCTAAAATTTGCCCTTT

>trans\_c\_9601 NM\_001063452|Oryza sativa Japonica Group Os06g0167000 (Os06g0167000)  
mRNA, complete cds

TGAGCCACGAAGAGGATCAGCTTATTCCTAACCTTTACCGATATATACAGCCTTGGGAAAGTGAGTTCATAGA  
TTCACAGCGGGTATGGGCTGAATATGCTCTGAAAGAATGCTCGATCTCT

>trans\_c\_9602 AP009376|Nasturtium officinale chloroplast DNA, complete sequence

CAATATCGCAGAACAGAATTTGATACGATGAGATAGAATGCAATAGAAACAAAGACACAGGGAACGGGTTA  
CCTACTCTTAACGGTCAAAGCGAACCCCTTTCATTCTGGGATTCGAGGAG

>trans\_c\_9603 NM\_001058662|Oryza sativa Japonica Group Os04g0162600 (Os04g0162600)  
mRNA, complete cds

CCTTAGACGGGTACTCGCACATAAATTCCTAACGATGTTGATGGACGTTCTTTTAAAGGATGTTCTCCGTTGTG  
GGTGGTCTCATATTCCGTCGCCTTGTGAGACAGCGTCGCTGCAATTGC

>trans\_c\_9604 NM\_001111634|Zea mays translationally controlled tumor protein-like protein (TCTP), mRNA gb|AF548024.1| Zea mays translationally controlled tumor protein-like protein (TCTP) mRNA, complete cds

CCTTAGATTGTTTGAACCCGGCAACAAACCAACAGCACCCAAAGACCTTCAAACGCAACAAAACCATCCATG  
CAACCTGAAGGAGCCTCGCAATCATCGACTTTCATGCTATCATCCTCCT

>trans\_c\_9605 XM\_002887367|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata proton-dependent oligopeptide transport family protein, mRNA

CAAGAGATTCTGAAGCTTTTACAGAGTCAATTCCTCTAGCTCTACTCATGGTAACCTCCATCATTCATTGTGCACT  
GCACACCCCGGGTGCCCTCTCGCCTGCAGCTCGCCTAGCCACGTAA

>trans\_c\_9606 XM\_002313419|Populus trichocarpa beta-ketoacyl-coa synthase family protein, mRNA



GAAATCGGGATTTTCTCCTTCGGATATCGATGTTTTGGTTGTTAATGTCTCAATGTTAGCGACGATTCCGTCGTT  
ATCTGCTCGATAATAATTAATAATATTTGAGGCCAGACTATGGCCCC

>trans\_c\_9607 Novel Gene

CCTTCTTCTTACCTCAAAAAACGAGTCCGCATATCTTGCTCATCCGACATGGCATGAATCACCGAACCTGCACTC  
AGGAATAGTAATGCTTTGAAAAAGGCGTGATTTGGTGGAGATGCGGG

>trans\_c\_9608 Novel Gene

AGATGAGGATGGACCTTTCAATTCAGCAGACAGACCATTTAGGCAGATCACTTTAGCTGTAATATTCTGAAGC  
ACATTTAGCACTAAAGCATACTATGCATTAACGGCGCGTGCGCTCGGAG

>trans\_c\_9609 NM\_001111735|Zea mays SET domain protein SDG111 (LOC542102),  
mRNA gb|AY187718.2| Zea mays SET domain protein SDG111 mRNA, complete cds

CGATGCCACCATTGGTGCCAACTCATCTTCAAATGCAATAGCAGCAGCAGCAACAGCCAACAACAACAGCAG  
CAGCAACCACCATGTTTCAGCCCAAGTTCACGGTGTTTTTGGGGTATGTC

>trans\_c\_9610 NM\_105700|Arabidopsis thaliana UPL2 (UBIQUITIN-PROTEIN LIGASE 2); ubiquitin-  
protein ligase (UPL2) mRNA, complete cds

TGATGCTTCAGGATCGTTATCTAGTGGGCTTGATGAACTAATGCGTCATGCATCTTCTCTCCGTGGGCCTGGAG  
TGGATATGTTGATAGAAATCTTGAGTTCATAGTAAAGGCCACTAGGG

>trans\_c\_9611 NM\_001112339|Zea mays NBS-LRR type disease resistance protein (MRPR1),  
mRNA gb|AY986485.1| Zea mays NBS-LRR type disease resistance protein (MRPR1) mRNA,  
complete cds

CCCTGATTTGCTCACAACATCATCACATCCTTCGATCGGAACCCTAGAAATTGTCATCTCCGATCCACGACCACC  
AATGGCAGAGCCTCTCGACATGAGAGTCAGCAGTTAATGGTTCAGTG

>trans\_c\_9612 AY238968|Nicotiana benthamiana pectin methyl-esterase mRNA, complete cds

AGAATTAAAGCTGGGGTTTATAGAGAGAATGTGGAAGTGCCGAAGAAGAAGACGAATATTATGTTTATGGG  
AGATGGAAGACGGAACACCATAATTACCGGTAGCCGGAACACGTCGATAA

>trans\_c\_9613 XM\_002316107|Populus trichocarpa integral membrane single C2 domain protein  
(NTMC2T5.1), mRNA

AGTCATCTGATACCGACGAACCAAATGGTGCTTATGAAGAGAGTGAAAACGACACAGTGAAAGCAACCGGCA  
AGGAATCATTTATGGACGTACTAGCCGCATTGATAGTGAGTGAAGAATTT

>trans\_c\_9614 Novel Gene

GAGACTACCAAAATAAGACACTGTATCCATTCTTTAGTTAAGTAGTAGACAGAGAGATAGGGCGTTAAGCCTT  
AGTTCCCTAAGTAACAACAACCTCTTGAGTTTTCAAACAAATATTCTTA

>trans\_c\_9615 XM\_002892673|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GAPA-2, mRNA

CAAACCTCTGCAGTGGGAAGCAATGGAGGATACAAGAAAGGGATCGTGGAAGCAAAGCTTAAGGTAGCCAT  
CAATGGGTTTGGAAGGATTGGCAGGAATTTCTACTCCACCTTGCATACTGA

>trans\_c\_9616 XM\_001691266|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CTGGGGAGTATGCTGTCAAACATCACCCTAAAATCAGATTCTTCCTCAGGCAAATTGAACTTAACAGATTT  
CTTATCTTTAGGAGGAACCATAAGACTATTACGCGGCGGGTTGTTGGT

>trans\_c\_9617 NM\_001068552|Oryza sativa Japonica Group Os08g0471900 (Os08g0471900)  
mRNA, complete cds

GCGGGCGCTTTTCCCCCTTTTCGAGAGGCAAGGACCAAGAGGACATCGACCTAAGAGGCCTTGGTGTTCCTAG  
GAATCAATCTTACCCTAAGGTTGAGTCATGGAAAACCTCTAAAACCTCTC

>trans\_c\_9618 AY030344|Triticum aestivum receptor-like kinase (Rlk-R3) gene, partial cds

AAAAGGATATTCATCTACGTTGCCCTTCTCACTTGCTTGAACCTGGAGTTGAGTGAGTCGAGAGATCTCTTCT  
GGAGCATATCATTAATCTTCAATGCATGAAGTCCCTTCCTTTGTCCA

>trans\_c\_9619 NM\_119048|Arabidopsis thaliana RPT2a (regulatory particle AAA-ATPase 2a);  
ATPase (RPT2a) mRNA, complete cds

AGAGGAGATGTAAAGTGATACTTGCTACAAACAGAATTGAAAGTCTCGATCCAGCTTTGCTTCGACCCGGCC  
GAATAGATAGGAAGATTGAGTTTCCATTGCCGCCTTGCCGTACACGTC

>trans\_c\_9620 CP000585|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 5, complete sequence

AGATCAAGTTTCAGGTGGACTGTTCACTCAGCTTCATCGTTACTGGTTTCTATTCTAACCTCAGTCTCATCATCA  
CGGTTCTTTTCTCCATATTTTCAAGAACAGCAACATCAGACTTGTC

>trans\_c\_9621 NM\_001070164|Oryza sativa Japonica Group Os09g0509400 (Os09g0509400)  
mRNA, complete cds

GGGACTCACTCTCTCCCCGCAATCTAGCTGCAACCCCAAATGATCACAACAACCAAGCAAACATGGAAAGAA  
AGAAGGCATACAAAAGAAATCCAACCTCCACCCACCAATCCTGTTTGTA

>trans\_c\_9622 EF213076|Elaeis guineensis cultivar Tenera calmodulin-like protein mRNA, partial  
cds

GGGATATCGAACGGTTACTGGAGGTTGGGGAGGAAGAGAAGTTGAAGGATTGAAGGAGGCGTTTGCTTTG  
TACGATAGTGAAGGTTGCGGGTTCATAACTCCGAAGAATTTGTTCTTTTAC

>trans\_c\_9623 AF170381|Bryopsis sp. D isolate 96-21-02 chloroplast pbsB gene cluster, partial  
sequence

AACCTCTACTTTTGATTGAGGTTTTCTCACGTTGAAATCAAGATTCAATTCAAACCTCATATACTTTTTTCTTCAT  
TCATTCTTTCAGTTTTTAGGGTTTAAAAATTAGGGGATACTCCATC

>trans\_c\_9624 NR\_022968|Arabidopsis thaliana (SNOR37-2) ncRNA

AGACAAGAACCAAAGTCTGCTGTGACGAGGCAATTTTTGTGGACTAGAGTTTCTGATCCGGGTACAATTCCTG  
GGATCTGATTATATACCCCTTGGCTGTCTGAGCACCCTGAGGGTGGAGA

>trans\_c\_9625 AY260044|*Sarracenia purpurea* 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

CCGAATTAGAACGACCCGTAAGCAGAAATTATATCTACTCAGAGCCCAGTGCATGTTCACTTCAAGAACCT  
TTCCCCTCTTCGGCCTTCAAAGTTCTCATTTGAATATTTGCTACTACC

>trans\_c\_9626 Z15116|*H.vulgare* pazx gene encoding protein zx

TTGATTTTAGACCCAAGATACGGGGCATAATTCCTTCTTGATCGACTCTAATATAGATATGATCTGTTGGGGT  
ACAAATGGTATTCTGGGATGAACATTCTTGTCCTCCAAACACAACCTGTTC

>trans\_c\_9627 AY110418|*Zea mays* CL308\_1 mRNA sequence

CTTGTGTTTTCCAATCATGGCCGTGACGATGGAACCTCAGCTTATAATGCCAGTTCTGCTTCAGAATTTGATGA  
TTGATATAGCTGTTACATTAATCTGAGCCTTGGGGTTTCTGAGGTGGG

>trans\_c\_9628 Novel Gene

GATCTTATTCGTATCTCAGCCAGGGGAACCCTGACTCTGTGCTCCAGGTGCTGGAAGATTACTTTCTCCTTCGC  
AACTAGATCGTCCTTACTTTCTGCTCAAGATCCCCCTGGCAGAGGTCC

>trans\_c\_9629 FJ097617|*Pinus taeda* isolate 2266 anonymous locus 2\_5360\_01 genomic sequence

GGGCCATAGTACTTGCCTCGTTGGAGGGACACGGGTTTTGGTATTAGGCGGCCACACCGGAGAAGAATGGAT  
ACTCAATGAATTACATGAACTCTGTTAGCTAGCAGACAAGATTGATC

>trans\_c\_9630 DQ875091|*Lophozia excisa* internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S  
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GTTGTTAGCCAAGGGCCAAGGGTAAGCGCCTAGGGAGGGTAGCCATCCGGCCGTGACGCCAGCCCTAAAGC  
TCACGCGCCCCACAACGGTCACACCAGGCGTCACTTGTGTCTTTGGGTATT

>trans\_c\_9631 NM\_102730|*Arabidopsis thaliana* CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);  
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

TAATCACTAGTTCTGGCGATGATCTTGATCAGATTGATGGACGCCATCTGAGGAGAATGGCTCTTGATACAA  
AGTACCTATAATAACGACGGTTGCTGGAGCGTTGGCAACTGCCGAAGCC

>trans\_c\_9632 XM\_002892785|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* F10B6.22, mRNA

TGGACCACACACTGACAAAAAACCGTGGCATGTTTAAGATGTAGCACTTTGCCAGACGTTGAGGATAATAAGC  
CTGCAATAACTGAAAGCCAGTTATCAATCCACGGGGATCGATGTTCTTG

>trans\_c\_9633 NM\_001056079|*Oryza sativa* Japonica Group Os03g0246500 (Os03g0246500)  
mRNA, complete cds

ACTCTGGCCATCTTCATTTCCATCTTCAGACATCGAGGTCAAGCTGGGAGGATGGCTTGTGTTTTGGCATGAAA  
AGCCATCAGCAGTATACTGAACAACAGACTTGGGGGAGCTTCTTTGGT

>trans\_c\_9634 NM\_126229|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G01680) mRNA, complete cds

CAAGTTGATGAAGCAATGGAGCTCAAACGGACAGTCAGTGATATCAAGCACGAGGTTCACTCTCAACTTATCC  
AAAACGAAAAAACACGTCGGAGAGTTTCTGGCATTGTGTTTCTTGACTT

>trans\_c\_9635 NM\_203232|Arabidopsis thaliana PMR5 (POWDERY MILDEW RESISTANT 5) (PMR5) mRNA, complete cds

AATGGGAAGAGAGTGTAAAGCTGGAGGAGATATCAATGAACGGAAATGCTTGGGTTGGAGCTGATGTGAT  
TTCCTTCAACACTGGACATTGGTGGAGCCACACTGGCTCTCTACAGGGGTG

>trans\_c\_9636 EU161340|Prumnopitys ladei 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGGGCCATTTTTGGTAAGCAGAACTGGCGATGCGGGATGGGTAAAGGATTAAACCGTAACATTATTGATGC  
GCGATTGGATCTAGGGTTGGGAAACACCCCAGCCCCGGATGTCCCTTCAA

>trans\_c\_9637 Novel Gene

AGGCTCATCAACAAATGAAAACGGAAAAGATATTGATTATTCTTCTATAGGATTGCAGCTACATGAGCCAAGT  
GATATAGATTATGTTGAGAACCCAGCAGCTTTGAGCGAATCATTCAATC

>trans\_c\_9638 AY941508|Lycopersicon pimpinellifolium receptor-like protein kinase (CT268) gene, CT268-7277b allele, partial cds

GGAGATGGAATGAGTGGTTCTATTGATGTGGTGACGACAATGACCTCGTTGAATAGTTTGTGGCTCCATGGG  
AATCATTTCTCAGGGACTATTCCTGATAACATTGGGGATTGAGTCTTCT

>trans\_c\_9639 AY103995|Zea mays PCO102677 mRNA sequence

AGAATCAGAGGCCAGGCAGCCATCATGCTTGGATTCTCCCAACCCCAAGATCAATATGAAACATTCAAACCTCA  
ACCATTGGCAAATATGCCAACCAACCAACGCGACGTATGTATGTGT

>trans\_c\_9640 NM\_001074182|Oryza sativa Japonica Group Os11g0264000 (Os11g0264000) mRNA, complete cds

CGACCAGTTGCCAATCAACTTCCGGCTTCATATGAGAATGGAAAACCTGGAGCATTTTCTGCATCAGTGGATG  
ATAGGCTTTCTTCGCTTTCATCAGAGAAATACCAACTTTGCAAAGGGAG

>trans\_c\_9641 NM\_001056261|Oryza sativa Japonica Group Os03g0278400 (Os03g0278400) mRNA, complete cds

CGTCAATGTTGTCACAGCAAAAACAACAGAAATTGGGCAAAGGACATGGGGAATTATGAGAGGTGTAATGGC  
AATGGCTTCACAGAAGGTTGAAGAGTATGCCAAAGATGGCATGAACTGGA

>trans\_c\_9642 AC005405|BAC F18A17 from chromosome V containing TINY at 60.5 cM, complete sequence

AGATGTTCCAGTGGTGTGAAAGTCCTGTAAGATTTTTTCAGTATAGTAGTATGTAGGTTTGAATTTGTATTCGTC  
TGTAGTTTAGCTTTGCTAGATCTTTGTTATTAGATGGGGGAGACAGAT

>trans\_c\_9643 NM\_001071737|Oryza sativa Japonica Group Os10g0544600 (Os10g0544600)  
mRNA, complete cds

AGTTCCTAAACTCCTTCGTACCAGGAGGCCAATAATACTGGGATCAGAAAGTAGCCGCTGGGCTAAACAGAG  
GGTGGTGGCAGCGTTTTAAAGTCCTACACCTTCTCGGGGCAGATGGTTGT

>trans\_c\_9644 NM\_001060696|Oryza sativa Japonica Group Os04g0663100 (Os04g0663100)  
mRNA, complete cds

CGAGTGACAAAGATGATATTGATATTCCTGAGAGTAAGCGTTTGAATGACAAACAAGGGTGGAGTTTTCGCA  
AGAGATCTAACCGGCAACGAGTACTAAGCAACACTGTGATAGCTGAAATC

>trans\_c\_9645 EU563474|Nicotiana benthamiana methyltransferase mRNA, complete cds

GCCACCACGCGTGCGCAAAGCAGGCACACCACGCTCTAGTGCAAAGTGTATCTGTGCTTCGTGATTGTCCCTC  
GGTGCAAACGATATGGCTAATACATTTCTTGAATAAATATGCACCCC

>trans\_c\_9646 HM363077|Chasmanthium latifolium photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB)  
gene, complete cds; chloroplast

GGGCAGAGCCCTCGACCCGGTTTATAAATGGGATATGATAGCTTCTTTATGGTCTAACATTCTTGCCAATACAT  
TATCCTCATTCTGTTCTGGATTGTAATCTCTAATAAAAAATATAGCTC

>trans\_c\_9647 XM\_002946369|Volvox carteri f. nagariensis chaperonin complex component (cct1),  
mRNA

AGCAGTTGCCAACATCGTGAAATCCTCGCTTGGACCTGTAGGCCTTGATAAGATGCTTGTGGATGATTATGGG  
GACGTTACTATCACTAATGATGCACGTGTGGCTCTCACTCGTGGCTCCT

>trans\_c\_9648 AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

ATTTCAAGTTGGAAAATGCAGTCAGATGTTTGGGGTAGTGTAAGTGATCAAGGGGTAGTAACTCATATTACGG  
GAGGAACTTTGCGCAGAGTTCTATTACTATTAATGGGTGGCTTCGCGAT

>trans\_c\_9649 Novel Gene

GAGTGGATTAGAAACTGCCTCAGGCTGAATCTCATCTAACCTATCCATTTATCCTCAGAATTCCCACTAGTCCC  
CGTCTTCTCACTATCTTCTGCATCAATTGCTTGACAGAGTTAGCAT

>trans\_c\_9650 Novel Gene

CTGGTACAAAGTTTATCCGACGCTCTAGACTATGACGTAGATAAGAGATAAGAGTTGAAAAGTGGGTTTTGTC  
TGTGAGTTTATTATCATCTAACCTCTAGCTCTTGAGGCATTAGTAGCAC

>trans\_c\_9651 AY455286|Zea mays chloroplast phytoene synthase (Y1) gene, complete cds;  
nuclear gene for chloroplast product

TGCCCCGCTGGGGTCCTCGTTTTAGATGTGTATGGCAAGATTACGAGTGACTGGACGGGGCTTGGCTTGTA  
GGCGGCCAGCTCGCAAGTGATGCTACCACAACGGGAACACGGCACACAG

>trans\_c\_9652 FN563084|Nephroselmis astigmatica plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain NIES-252

CGGCCCAGACTCCTACGGGAGGCAGCAGTAGGGAATCTTCCGCAATGGACGAAAGTCTGACGGAGCAACGC  
CGCGTGAACGATGAAGGTCTTCGGATCGTAAAGTTCTGTTCTTAGAAGGAG

>trans\_c\_9653 AY050398|Arabidopsis thaliana At1g69830/T17F3\_14 mRNA, complete cds

AGAGGGGTACATGCCGAAGGACCTGTATAATTTAAATTCCAGATATGGTAACATTGATGAGCTGAAGGATGT  
TGTGAAGACGTTCCATGATGTCGGGATAAAGGTTCTTGGTGATGCTGTCC

>trans\_c\_9654 NM\_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

GGCAACAAGAACTTGATGCTGCATACCAGGAAGCTCAAGAGAAGGCTGGTGGTTGTCCATTTTTCTTTCT  
TTTCGGTCAATACCAGTGGGCACGGGTGGTACTTGCACTCTGTCGGTT

>trans\_c\_9655 AB289878|Prunus speciosa S gene for S-RNase, partial cds, allele: S24

AGGCTTGAATTTTTACTTGGAGATATTCTATTGATGGACCTGTTTCTAAGTGAAGTCTCGGATTGGGAGAATTCCAG  
TGAGTGTGATAGCAGCGATGACCTAGAGGAAGCTGAGCGCGCGACGTT

>trans\_c\_9656 GU902263|Ceratophyllum sp. SM-2010 photosystem 1 subunit A (psbA) mRNA,  
partial cds; chloroplast

GACAACAACGTGGCCCCGGCAATATGATCCACGATTTCATACCCACAAAACATAGGTAAGTCTGTTTCTGCCCA  
ACATATTGTATAGCGGTATCTGAAAACATATCTTGGGGACGCCCTAAA

>trans\_c\_9657 NM\_112015|Arabidopsis thaliana SYP121 (SYNTAXIN OF PLANTS 121); SNAP  
receptor/ protein anchor (SYP121) mRNA, complete cds

TGTGTTCTTGTACTGCAGCAAAATGATGATGGCAATAATTGTCCATTTCCGGGTGTTTTCTGGTATACTCTGG  
CTGTTGTCAACTCTGCGTGCCACCTCGAACAAAAGAATGAGCCCTGT

>trans\_c\_9658 XM\_002311983|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca1  
(Lhca1-2), mRNA

GTGTGCAACAATCAGCATACCCAGGAACAGGGCCATTGGAGAACTTGGCAACTCACTTGGCTGACCCATGGC  
ACAACAACATTGGCGACATTATGTAGGGGTCTGTGGCCCTATTCCAGGCC

>trans\_c\_9659 NM\_00111416|Zea mays blue-light receptor phototropin 1 (phot1),  
mRNA gb|AF033263.1|AF033263 Zea mays nonphototropic hypocotyl 1 (nph1) mRNA, complete  
cds

CGCCATTCCCTCGGGACTCGCGAGGATCCTTAGAGGTTTTCAATCCCTCCTCACTTACTCGTCCCGATCGATC  
AATTCCATCCCTCGGACGAACCCAACGTGGTTTGTGTGGATGAGACAC

>trans\_c\_9660 AC004708|CIC5B11.1 check: 4870 from: 1 to: 167234, complete sequence

TGAGGTAATAAGTGTATAGTATGAATAGAACAAGAGAGAGGGGGAAATACTAAAGAAAAGGTTAGTCAAAG  
CTATATACCCTGTCCTACGCTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTATTGGCGG

>trans\_c\_9661 XM\_002884875|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata methyladenine glycosylase family protein, mRNA

TGAACAACAAACCATTCTCACCGCAGTACAAATCCGGCCACAAAATTCCGGTAAAGACATCAAATCAGAAAC  
CATAAGCAAAGACATGGTCCGACGAGGTTTCCAACCTTGTCGGTGGGGTT

>trans\_c\_9662 AL161577|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 73

TTCCCAAACCAACTTATGCTTTGCAAAATAACACTTGGCCACTAAATCTCCCTCGTATCTTGACTTATACTGCAA  
ATCAACACAACATTCTCAACATCAAAACCATCAAATTTACCAGGAC

>trans\_c\_9663 CT029918|Poplar cDNA sequences

AGAGGAGAAGGGTTTTAGTGATGGATAAGAACGAAGAGACGGGGAGCCCTGGTTGGGGTGCTTCACTTTTC  
CTCCAGACGACTGAAGATGTTGCAAGAGCTGTGGCTGTTGCTGGACAGTAA

>trans\_c\_9664 AJ717924|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BSTT14-470C, cultivar Bright  
Yellow 2

TCCATGGTGACCAAAAATGAATATGACTGTCCTACATGTATGTCTAAGCTAGTATAATTCTGTTGCACTGTATA  
TGACCCCTCTGTTTCAGCTAAAAGAAGATTGTGGTTTTGGATCCTGAA

>trans\_c\_9665 Novel Gene

GGAACCATAAGACTATGCATATTATTGTTGTTGGTGATATTACCTCCTTTGTTAGTGATGTTGTTGGACCCCTTC  
AATTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGGTGTTGTAGGACAACGGAGCCACA

>trans\_c\_9666 AJ239057|Antirrhinum majus far gene for farinelli protein

TACAGCAGCATCCATTTTAGAAGACCTCTCTTTTACAGGATGATACTTAGGAACAACGACCCTGTCATGCTCTG  
ATAAATCTTGTCTATGTCCCCAGTTCATCATCTATGCTAAGTTCTC

>trans\_c\_9667 Novel Gene

AGTTGCACTCCTTCAAGCCTTTGAATAGGGATCAGTCTTTCTCAAATTCTCTCTCTTTCAGTCGAGCCTTGTTT  
ATTGACTCCTTCTTAGTCGAGCTGCTTCGCACCTTTCAGTCGCTTC

>trans\_c\_9668 CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

CGAGTGTATAAAGATTATATGAGCGTAGTATTTGCTGCTGCCCTGTACATGAAGAACATGCAAGAATATCTGA  
TCTGGATGATCCCATCTCCCATTTGCTAAATCATTTGGCAAATGAGAAGT

>trans\_c\_9669 XM\_002863756|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin family protein, mRNA

TCATATCACTCTTAAGGATTACGAGATTCATGACGGCATGGGGCTGGAACCTATTACAATTGATTACGTATCG  
CTGTGAGTTTTTACGGCTTCTTTGAATCTTGATGAATTATGATCGCGT

>trans\_c\_9670 XM\_002317795|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC041),  
mRNA

CGATGAAGCTGAAGCTGCTATCTCATCCCCAACTACAGCTGAATCCTCTCCTGGACCTGGAGATTCCCATTTCAG  
AGCCAATACTTCCTTTAGTTTCTCCATCATTGCAAAGGCAGGCCCTTA

>trans\_c\_9671 NM\_100230|Arabidopsis thaliana LIN2 (LESION INITIATION 2); coproporphyrinogen oxidase (LIN2) mRNA, complete cds

ATTACTCATATCCATAAAATAGTTTTTGGATTGGATTGATCAATGCAATGAATTGTTTCATCATACGACCGA  
TCCCTAATTAAATTGATGAGCCCCATCCTAACCTTATGAATTTGATT

>trans\_c\_9672 XM\_002868113|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT3g06720/F3E22\_14, mRNA

CATCGGCAGTAGAAAAGAAGTTGGAACATCTTCCTTCCATGGTTGCGGGTGTGGTCTGATGATGGTAGTCT  
GCAACTTGAATCCACTACTCAGTTTAGGAACTCCAAAAACCAACCAA

>trans\_c\_9673 Novel Gene

AAGAACCGGCAGCGTCTCGACCAGATCTTGCTTGCGGCAGGGGACGATGTTGAAGTTCTTTCATTTTCATCAG  
AAGCCGTTGTAGCTGTGGAAGCTGTCGTTGATGGGAGACTCATGAGGTT

>trans\_c\_9674 EF363796|Cucumis sativus phospholipase D mRNA, complete cds

GGGATTTAGATCAGATCTTCATCACTCCATCACCTGTACCTTCCCGGACGACTTTGATAGTTGGAATGTTCAA  
GTTTTCAGGTCTATCGATGGTGGGGCAGCAAAAAACCCCTTATTCCG

>trans\_c\_9675 CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

GATCGCAACGACGGCCGCTTCTTTAGTGTAGTCAAGCGTTATGGCAGTCTCATTGAGCGATGTCAAATCGGC  
AGCTGGTCTCACCCCTAGATCATCTGCAAGTAGACTGATACACCGTGCC

>trans\_c\_9676 NM\_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,  
complete cds

GATATGAAGAACCGGCTTCCTCGCAGTATCACAACCTTTAGAGTGGGAAAACAGCTTTGTGTCTGTTTATAGCA  
AGGACAATCCTAACCTGCTTTTCAGCATGTGTGGATAACTTCATGCTTA

>trans\_c\_9677 U48520|Sarcobatus vermiculatus ORF2280 gene homolog, chloroplast gene  
encoding chloroplast protein, partial cds

ATACGCGCAGGCGCCAGTGGAGTGCCTTACGCCTTGCTAAAAAACCGATCCTTGTTTACCAACCACACATTGT  
CTAACCAAATCCAATTCTCTCTCGATATGTTCTCACCCCAGGGCTCC

>trans\_c\_9678 AF043539|Spinacia oleracea ClpC protease (clpC) mRNA, chloroplast gene encoding  
chloroplast protein, complete cds

CAAGTTTTACCCCCACTCCGCCGACCCAAAATCTGGGTTACACGTTCTATTGCTGCTGCCTTCCAACAACAGG  
ATCTAATTTACCCTCTTCAGCCAGCTTAGTTAAATTTGTGCCATACTC

>trans\_c\_9679 EU002495|Datisca cannabina RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

AAGACGCGCGCGCTTCCTTTGTTGAAGTAAGTACAAATGGTCTGGTTCGAAATTCCTACGAATAGACTTAGG  
GAAATCCGATACTGCGTATATGAGAAAAAGGAAAGATCCGTCAGGTTCA



>trans\_c\_9680 FJ711705|Solanum lycopersicum UDP-sulfoquinovose synthase (SQD1) mRNA, complete cds

CAGAACAGTTTTCTGTCAATGAACTTGCCGCTCTTGTTACTAAAGCGGGAGAGAAGCTTGGGTTGGATGTGCA  
AACCATAACTGTGCCAAATCCAAGGGTAGAGGCAGAGGAACATTATTAC

>trans\_c\_9681 XM\_002318674|Populus trichocarpa acyl:coa ligase (Ptr4CL21), mRNA

TCCATGGGTTTGATCTTGCTCTGTTTCTTCTTTGTTTCATCTTAGTTTTGTGTTTGGATTTCGAGAGTCATTCTTGG  
TGGTTTGATTCTTTATACTCCAAAGGGGGAGACCTATAGAAAAAAG

>trans\_c\_9682 NM\_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA, complete cds

AGAGATCTTATTTTGTCTGGATTATGCAAAGAAGAACAATGTGAACACATCGGCACTAACACAATCTGAGATTC  
GTGATATCATACTTGAGCCGAGATCACTCCACCCTCCCAACAAAGACA

>trans\_c\_9683 CT029826|Poplar cDNA sequences

TGACGACAATGGAAGTACAGCCGAGAACTTCAACGAGAAAGACGAAGAATATGTTGAATCCAGCGTGGTTCGA  
GGCTGTTGAGGTGAAAAGTGGTGCAGTACCAAAGCACTAAGTTTCGCAGAA

>trans\_c\_9684 AJ864705|Vitis vinifera mRNA for alpha-1,6-xylosyltransferase (x34.1 gene)

GAGACGCGACACGAAGATCCACCAAAATCTTCGAAATATCGAATGTAGCATAATTATTGGACTGCTCCGCCGG  
CTTGTTGGTAGTCTCCGGCTGAGCCTCTTCAAGAACACGGCGAGGCTCG

>trans\_c\_9685 Novel Gene

CAAGAGAGGGATCCTAGAAATGAAGAGGAATCAAATTGTTGGTTGAATTCGTCGTGTCCGTGGTCGTCGTCTT  
CTCCAAGGGAGAGGCTGCTTCAGTCGACAAGAGGGAAGGCAGAACACTT

>trans\_c\_9686 Novel Gene

CGAGCTACTTTCTTTGTTCCACTCCCTTCCCTATCTATAGAGCATATTTTCATACCTCTTCCGAGACTGATTAGTAT  
TGGGATAGACTGATATTCCTCTAACTCTTGCATCGCGTGTGCTAGG

>trans\_c\_9687 X00616|Tobacco chloroplast gene P32 for thylakoid membrane protein

AAAACCCGGTGGGACACCCGTCCACACTCAAGCCCGATCCAATCCTCTACTTCAACAGCAGCTAGGTCTAGAG  
GGAAGTTGTGAGCATTACGTTTCATGCATAACTTCCATACCAAGATTAGC

>trans\_c\_9688 NM\_001188221|Oryza sativa Japonica Group Os07g0299600 (Os07g0299600)  
mRNA, complete cds

AATAGGAGACAGACAGCATGTGCTTGTGCACGGTTGAGGCAATGGCATGTGAGTTTGTGTCAGTTTGCTTTTG  
TAAATTCCCATGTGATCCATCTAAATTTCAAACATTATTAATCATTATT

>trans\_c\_9689 Novel Gene

CGAACCCGCCCAACCAAGATCGAAGAACCGAACCTGACAGACACATCTTTTTCCTTTTGGGAGGGTACGGAG  
AGTAGTGGGTACCTCGTCAGACCTCGTGGGCGGATGAGCCCAGAACATA

>trans\_c\_9690 NR\_022968|*Arabidopsis thaliana* (SNOR37-2) ncRNA

AGACAAGAACCAAAGTCTGCTGTGACGAGGCAATTTTTGTGGACTAGAGTTTCTGATCCGGGTACAATTCCTG  
GGATCTGATTATATACCCCTTGGCTGTCTGAGCACCCTGAGGGTGGAGA

>trans\_c\_9691 NM\_001061886|*Oryza sativa* Japonica Group Os05g0370600 (Os05g0370600)  
mRNA, complete cds

CACGACCCATGAAATCATCCTTCACAAAATCTTTATCCTTTACAGTAACCTCAAGCACTGAAGACTGAATCCGG  
TCTTTCGAGAAGGCCAAAACCTGGTTCCACTCAGGATTGATTCTTC

>trans\_c\_9692 DQ001751|*Rosa* hybrid cultivar voucher P.M. McNutt 017 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GCAGGGACCAGGAGATTTGAAAAAGGATCTTAGAGTGTCTAGGGTTGGGCCTAAGATTTGATGCCATAGTTA  
TGAACCTCCAGCGGCCGAGCACAAACGACCCTGTTAGAGTACACAAAGTG

>trans\_c\_9693 NM\_001065218|*Oryza sativa* Japonica Group Os07g0102400 (Os07g0102400)  
mRNA, complete cds

TTCACTCCGATGTATATCCAAATGCAAACCTGTATGAGATATATCACACTGTTGATTGAAATGTAACTGTTCTT  
AGTTTATCTGTTGGCAGACTTCTTGCCTGGTGGTATATCTCTGCCC

>trans\_c\_9694 XM\_002313158|*Populus trichocarpa* tubulin alpha-5 chain (TUA5), mRNA

AGGCGTACCATGAGCAACTCTCTGTTGCAGAGATCACCAACAGTGCATTTGAGCCTTCATCCATGATGGCCAA  
GTGTGACCCCCGGGTACCTTTTATGTACCGGACAACAACTACATGTG

>trans\_c\_9695 XM\_001690684|*Chlamydomonas reinhardtii* strain CC-503 cw92 mt+

AACCTCATCCAGTGGTGCTTTTCGGGCGGTCCCAACGGTCCGGATTCCGCGTTGCCCTGTTAGAAGTTTGT  
CCAGCACAAAGGGCCGTTTGTGATATCGTTTGGGCGGGTATCGCGGAA

>trans\_c\_9696 DQ118734|*Cucumis sativus* cultivar Kfir Trichoderma-induced protein kinase (TIPK)  
mRNA, complete cds

AACAATACTTAGACGAAGAACAGATGAAGGAGATGATTTACAGAGAGGCATTGGCACTCAATCCAGAATTTG  
CATGACCATAAAAGCATTCGTGCTCGATCTGTGAGAAGAACACGCCGT

>trans\_c\_9697 DQ394572|*Glycine max* cytochrome P450 monooxygenase CYP97C10 (CYP97C10)  
mRNA, partial cds

CGTGTACGAAGGCGGGCTATAGTCCCTTCGTTGCATATGAAGTATGTAGGAGCTATGATTAATCTTTTTGGAG  
AAGCCGCAGATAGGCTTTGCAAGAAGGATAGGACAGGTTTCAGTCCGA

>trans\_c\_9698 AY215153|*Oyedaea verbesinoides* ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast gene for chloroplast  
product

ATAAAACCGTTAATCACGCTCTAGCCTCAAGGCAGTAGATCATCCACCAGACTTTGGTTCTTGTCTATAAAATC  
ATCACGTAGTAAATCAACAAATCCTAAAGTGATTCTCTTTCCCCTT

>trans\_c\_9699 NM\_001049859|Oryza sativa Japonica Group Os01g0556400 (Os01g0556400)  
mRNA, complete cds

GCAAATGGATTTAATGGGTTTTATGAAGGTGATGTCGATGCAGAGGAGATATTTAGAACTTTTTCTTCGGCG  
GAATGGCCCCCTACGACAACACATTTCCGTACTTTCAATTTTTTACACA

>trans\_c\_9700 AY057632|Arabidopsis thaliana AT5g57660/MRI1\_1 mRNA, complete cds

GGTGATCATTTGTTCTTCAACGAAATGGATTCTTTATTGATTTTGAATACCCAAATCCAGTCAACAACCACAGC  
GCTATTAACGACAGCGTCGTCCTGTTTCAGACGAAGCCACTCCCTA

>trans\_c\_9701 XM\_003080047|Ostreococcus tauri tRNA isopentenyltransferase 9 / IPP transferase  
9 (ISS) (Ot06g04820) mRNA, complete cds

AGGTCCCATCTTTCTTTCATCCTTAACCTTCTTCGGTCAAAGCGATAACTATGTTTGTTTTGCAAGCTTAAAAATG  
AATTACCTCCAATGCTTTGTAAATAATTAGTATGGGGGGGTTGGG

>trans\_c\_9702 DQ226830|Boechera divaricarpa isolate SLW-C-A06 mRNA sequence

CAGAGTTGGAAATCCATGTTGGATGTCATACCAGAATCTGAGACACCTGAATCTAATGAAGATCAATTTCCAG  
AATATGATTTACAGGCCACAGAATATGTAAGATACAAACAGGAACGAT

>trans\_c\_9703 NM\_106336|Arabidopsis thaliana SEC5A (EXOCYST COMPLEX COMPONENT SEC5)  
(SEC5A) mRNA, complete cds

CCTTTCGATCAAACCTTCTGAGGAGCCGGTGCTGTTCTTGTCTCCCGCATTTACGTA CTCTTAGCAAGCTCAT  
CTTCATCAACGTGCTTCCAGCAATGAGGCTCCTCGCCATCCCATCC

>trans\_c\_9704 DQ191658|Solanum tuberosum NADPH quinone oxidoreductase-like protein mRNA,  
complete cds

GGTTCGCAAGCCAGCCGCCTGCACAGTGAGGCGTTTCGCAAACAACTGCGAATATCTAGCTGTGTTACTGC  
TCCCCCATGGTTCCAATAATAAAAGCCTACCATCTAAGTTTAACT

>trans\_c\_9705 HM066935|Nicotiana tabacum transgenic chloroplast kr2.2 DNA integrant,  
complete sequence

GAAGGAAAAACAGCCAAATCCGATCCAATTTATCGTAATCGATTAGTTAACATGTTGGTTAACCGTATTCTGAA  
ACATGGACCCCCCGACGGTTAGGCGACCCGGCGAGCGATCTAACGTC

>trans\_c\_9706 NM\_119050|Arabidopsis thaliana emb2726 (embryo defective 2726); RNA binding /  
translation elongation factor (emb2726) mRNA, complete cds

AGTGAACTGTGAACTGATTTTGTCTCGAGAGGGGATATCTTCAAGGAGTTGGTTGATGATTTAGCAATGCAA  
GTTGCTGCATGCCCTCAAGTACAATATGTGGTGACAGAGAGCACCTTG

>trans\_c\_9707 DQ641987|Pinus taeda cellulose synthase-like A2 (CsIA2) mRNA, complete cds

CAAGAATGCAAGAGATGTCTTTGGATTACCATTTACAGTGGAACAAGAAGTTGGTTCTGCTACTCATGCCTTC  
TTTGGCTTCAATGGAAGTCTGGTGTATGAGAGGCCATCATTGTAA

>trans\_c\_9708 EU018274|Triticum aestivum alpha-gliadin (gli-w7-38) pseudogene, complete  
sequence

AGGGTTCGTTTGATGATTAAGATGGATGGAAGCGCGTGTGTTTAGACGTTATGTGGATTAATTTTCGATGGAT  
GTGGAACGTGGTTATGTCTGTGGTAACGGTGTGCGGTACAACACACCC

>trans\_c\_9709 Novel Gene

GCCCCGCAAAGTTTTGTGTTGTAGTTATATTTTTGTTGAATCTTTTTTATTTTATTTTAAGGAATTGGTTAGT  
CGTCCAGTAACAAGTAACAGTAGTACATAGGATTCGATGAACGAA

>trans\_c\_9710 AF036339|Euphorbia esula glycine-rich RNA-binding protein (GRRBP1) gene,  
complete cds

GTCTCTCGACTCGGCCTTCGTGCTCCCTAATCGGATTCCACCCGAACTCGAGAGACGTCAAACGGACCTTGGCT  
TCAACGATATCACCAAATGGAGAGAAAGCCTTCTCTAAGGCATTACT

>trans\_c\_9711 NM\_001123987|Arabidopsis thaliana TOR (TARGET OF RAPAMYCIN); 1-  
phosphatidylinositol-3-kinase/ protein binding (TOR) mRNA, complete cds

AAAGCCATGGGGCCTGCTATGGAATCTCATGTTGAGGTCTCTGGATGTTATGTTCTCAGCTGGTCTTTCACC  
TACACTTGTTGAATCCCTGGAGCAAATTACTACGAGGCAGACATAAT

>trans\_c\_9712 Novel Gene

AGTCCAATCAATTAGTTGAGTTTGACCCAAGAGTTAGAAGTCTGAGAATGGTTGATGCACAAGATAATCAGG  
GTGACTCTTTGATATTTGGTTCAAGATCTGATGAAGAATTCAAGAAGTA

>trans\_c\_9713 AF150630|Gossypium hirsutum cellulose synthase catalytic subunit (celA3) mRNA,  
complete cds

AGAGTATAGTTCATCGGGGCTAGGTAATGTAGCTTGAAAGAGAGAGTTGATGGCTGGAAGATGAAACAGG  
AGAAGAATGCTGGGCCAATGAGCGTAGCCCATGCTGCATCTGGGGAAAAG

>trans\_c\_9714 GQ998517|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 cytochrome c heme  
attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

ATTAAATAAAAAATACTATAAAAAATACTTTCGAGCATATATTAACATATATCTTTTCGGTCATTTTCATA  
ACAGTAATGTTAAGTCAATTATTGGAATAATTAGTTACTTTGGCAT

>trans\_c\_9715 AY377535|Lupinus luteus class 10 plant pathogenesis-related protein (Ypr10.2b)  
gene, complete cds

CAATCAATCAGAAAATTATCATCAGGAGTGAATTCTGATAAGAGAGATGATGATAAACATAAAGCACAAAGA  
ATCCAGATGAGAACTCAATATTTGAAGCTCTCATGGCGGCAGATTTCAT

>trans\_c\_9716 Novel Gene

CTCTTCCTTCCCCTTTCTAAAATTTACTAAATCCATTTTCAATAATGAATCAAATCAAGAAAGAATTGATAAAAG  
AAATCAAAGTATAATTGACTTTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATC

>trans\_c\_9717 M16859|Soybean 18S ribosomal RNA gene

ACCCAGTCCCTCGTGAGTGCGGCACGTGTTCTTCACTATAGTGAGGACCCGTTTTGGCAGGGCGTACTAAACC  
CACTTCGTACCACACCACCGGGTGGCTCGCCTGAATGCCGATTAGTA

>trans\_c\_9718 AJ006759|Cicer arietinum mRNA for ribosome-associated protein p40

ATTGCTTTCCTATGTGTCTTTGGAACATTCACCAATCAGCTTCAGACATCATTCAACGAGCCACGCCTTCTTATA  
CTTACTGATCCTAGAACTGATCATCAGCCCAGCGGAGAAGCTGCAC

>trans\_c\_9719 AB353300|Lotus japonicus ACTK mRNA for ACT-domain-containing protein kinase,  
complete cds

AAAGCTTCTTAGCCAGCTTTCTGCTTTGCTTTCTGATATAGGACTTAACATTCGAGAAGCACATGTGTTTTCAAC  
AACTGATGGTTACTCTTTGGATGTATAACACCACCTACCTACCGGA

>trans\_c\_9720 NM\_112363|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein  
(AT3G15010) mRNA, complete cds

AGTGGGCATTATAGCATGTCATCAGCATCCGGGCACCCAAATCAGCACCATCAACCGGCAGGAACATCACCAG  
CGCCTGCACAAGGTGGACCTCCCTACATACCCAACACATGCGGTGCGG

>trans\_c\_9721 XM\_002298083|Populus trichocarpa ATP/ADP transporter (PtrAATP1), mRNA

GCCATCACATAAAACAAACAGAAGCTCCAAATCCTCATAATAGCCAAAGGACCAAGGAACCTCGGGCCAAGA  
GCGTTGAGAAGCTTATCAGCAAAAGCTTGAGGATGAATATAATTGCTGA

>trans\_c\_9722 GU386239|Eperua grandiflora ribosomal protein S12-like protein (S12) gene, partial  
cds

ATGTAGCGGCATGCCTTGCCTTGACGAGTTTAACGTAATCTGGCTGGTTGCAGTCTTCTCCCAAGACACAGAG  
CTGAGCAGCATGTTTCTCAATAGCTTTAGCACTCTCATGAAGACCTCG

>trans\_c\_9723 AB491654|Monomastix minuta gene for 26S rRNA, partial sequence

GGTGTAGCATAGGTGGGAGCTCCGGCGCCAGTGAAATACCACTACCTTTATCGTTTTTTTACTTATTCAATGAA  
GCGGAACTGGGCTTACCGCCCATCTTCTGGCGAATTCCAGGAAGCG

>trans\_c\_9724 DQ389128|Cannabis sativa voucher CPRO 921235 SSR marker ccmp6 sequence;  
chloroplast

TATGTTCAAAACCTCTGTTCTTTCTAGAGAGGTGTGTTATGAATAATGTCTATTTCTGTTTTTCATTACAGTCAT  
GTAATGTTGGTCACTTGTGTCCATGGAGTTAATGGATAAGTTATA

>trans\_c\_9725 EU669113|Holodiscus discolor voucher Wen 7257 (US) ndhF-like gene, partial  
sequence; chloroplast

TCCTTAAATTATATGAAAAATATGGAATATACATATCAATATTCATGGATCATACCGTTCATCTCACTTCCAATT  
CCTATCTTATATCCTCACCCGGAAGATGAGGGGAATCATTACACCA

>trans\_c\_9726 FJ872090|Limonium sinense photosystem I P700 chlorophyll a apoprotein A1 (psaA)  
gene, partial cds; chloroplast

AATGTTGAGATAACATGGCGTTAACCACGTATAGTCTTTTGCAGCCTTAATGCTTTTTGCTGGTTGGTTTCATTA  
TCACGGAATCATCTTGGGCGGTTAGGTTTTACCCCTGCGAGGTCC

>trans\_c\_9727 EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGAAAGATCGATTCTTTGGGATCCTTCCTTTCTTCAAACGGAACGAACAGAGATAGAATCAGACCGATTCCCT  
AAATGCTTTTCTGGATATTCCTCAATGTCCCGGTATAGTGCCTTGCA

>trans\_c\_9728 NM\_101603|Arabidopsis thaliana LOX3; electron carrier/ iron ion binding /  
lipoxygenase/ metal ion binding / oxidoreductase, acting on single donors with inco> (LOX3) mRNA,  
complete cds

GAACGCATGCAACCTTAGAGCCATTCATATTGGCAGCACACAGGCAACTAAGCGCAATGCACCCAATCTTCAA  
GCTCTTAGACCCACACATGCGATACACAATGGAGATCAACGCACACGC

>trans\_c\_9729 NR\_022028|Arabidopsis thaliana (AT1G03506) ncRNA

CTGGCTATGATTATATATTTATCCGCGCTTCCGAGGTTAAACAATGAAGCAAGATTGAATAAATGGTTGAATTT  
CTTAGTATGAGCCAGTTTTCTTCTATCATGTTTTGTTAAATTTTGA

>trans\_c\_9730 NM\_102124|Arabidopsis thaliana GI (GIGANTEA) (GI) mRNA, complete cds

GACAAGTTGAGGAAACTGATGTTCAAGTGTGAATCTTTGGGTGGCTATGAGTCATTATACAGGGAACAGATTG  
AAGTGTCTGCAGCGGAAGCTACAATTGACGCTACGTACACCTTCATTGC

>trans\_c\_9731 XM\_002878972|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPDR4/PDR4, mRNA

GGTACCCCGCCTCTTCATCTTCTCCGTCTTCTCTAAACGAGGCGGTTCTGAACAAACACATTATCCGCCGTGTTCC  
ACATGGTGGAGGTGTGGAGGAAGATCTATAATAAGCTCCAAACAGA

>trans\_c\_9732 NM\_128452|Arabidopsis thaliana APK1B; ATP binding / kinase/ protein kinase/  
protein serine/threonine kinase (APK1B) mRNA, complete cds

AGTTTCACAGAGCTTAAAGCAGCCACCAGGAACCTTCGTCTGATAGTGTGGTAGGAGAAGGTGGTTTTGGTT  
CTGTTTTCAAGGGTTGGATTGATGAGCATTCTTTGCTGCATACAAAC

>trans\_c\_9733 Novel Gene

GATCATGGCTTCTCTTTTCGGATCAACTTCATTTCTCTCCACCCACTTACTAGAACTTATCACTTAGCTTCCTCA  
CAAACCCCTTCACCTTCGACCCACCTTCCCAACCCCGCAAAAA

>trans\_c\_9734 NM\_001057952|Oryza sativa Japonica Group Os03g0773600 (Os03g0773600)  
mRNA, complete cds

CTTGCAGTACTTGGAACACCTGTTTTAGAGATTCTCGCTGATTGTGAATGACTTGATCTCTCATTGCCATCTC  
TAACTGAAGCTCGGAATTAGCCATTCCCAGCAGTCTATACTGACTA

>trans\_c\_9735 XM\_002299868|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 14 (CPK14),  
mRNA

AATTGATTTTGGGTATCGGTGTTCTTCAAACCTGGTGAGCGGTTTAATGAAATCGTTGGAAGTCCGTATTACA  
TGGCTCCCGAGGTTCTAAAACGAAATTATGGCCCCCTTAGATTGG

>trans\_c\_9736 NM\_001126017|Arabidopsis thaliana NPH3 (NON-PHOTOTROPIC HYPOCOTYL 3);  
protein binding / signal transducer (NPH3) mRNA, complete cds

GTTGTGTTGAAAAGCTGTGAGAAGCTCTCGCCGTGGGCTGAGAACCTACAAATCGTTCGGCGATGCAGCGAG  
TCTATTGCTTGGAAGCTTGTGCTAATCCTAAAGGAATTAGATGGGCAT

>trans\_c\_9737 NM\_001161302|Arabidopsis thaliana ATRSP41; RNA binding / nucleic acid binding /  
nucleotide binding (ATRSP41) mRNA, complete cds

AGAGATGATGATGATAAGAGAAATGGATATAGTCCTGATAGGAATCGTGATAGGTCTCCTGATAGAAAACGA  
CGATCCCCAAGTCTCGCGAAGAAAGATAGAAGGACCCCGTTTATCCTG

>trans\_c\_9738 NM\_114362|Arabidopsis thaliana ATCHX10 (CATION/H+ EXCHANGER 10);  
monovalent cation:proton antiporter/ sodium:hydrogen antiporter (ATCHX10) mRNA, complete cds

CTTCGATCGACAGAGATGCTGCCTCTGTGGATGCAGTTCAACCATCGTCTTCATCGACGGATTCTGTACCAGG  
GAACGAGGCGAACTTGTCCACGTCTTTCTGGACCTAAGTATGATGA

>trans\_c\_9739 AB283033|Lotus japonicus LjPAL3 mRNA for phenylalanine ammonia-lyase, partial  
cds

CAAAGTTTATTATAAGGAGATGAGGTTTCTGTAAAGATCTTCCGAGGAGTCCCTTCGAAACGTTCTCGGATT  
TTCACCTCGTGGAATCCACAATTCGTATTGATCACTCTGGAGACCTA

>trans\_c\_9740 NM\_001068395|Oryza sativa Japonica Group Os08g0431100 (Os08g0431100)  
mRNA, partial cds

GGGCTGTTTACCTCGCTCACAAAGCTCAAGTCTCGCAGGGAGGTCGTTGAATGGTTAAGCTCTGTTGTTTCTG  
ATTCCCAACGTAAAACATCACACCAGGTCAAGGGTCAAAGAATTGGA

>trans\_c\_9741 NM\_105615|Arabidopsis thaliana EXS family protein / ERD1/XPR1/SYG1 family  
protein (AT1G69480) mRNA, complete cds

CATGTCTACTTTCTCAGCTTTTTTGGTTTCATCATCTTGACATGTTGATGTACTCTGGAAATATATACTTTTGGGA  
GGCGTTACCGTATCAATTACTATTACATACTAATCTCACTCTTG

>trans\_c\_9742 NM\_001052118|Oryza sativa Japonica Group Os02g0100700 (Os02g0100700)  
mRNA, complete cds

GCCCGACATCCTGGGGAGTTTGAGTGCAGGGAATTTAGGGAGTCAATACTTGGAGTTATGCCACATCACTGG  
GATAGAAGAGAAGACACCGTTCTAGAGTTGGCGCACTTCAGGCGACCGC

>trans\_c\_9743 DQ279078|Chlamydomonas reinhardtii PhoB (PHOB) gene, complete cds; nuclear gene for plastid product

TCCAATTTTCAGAATCCAAAAATGAGTGATTCTTCTACTTCTACCCCTCATCCTGCAAAATCAAGCTTACCCATGT  
TGTATTATGGCCTTGTCGTTGTCGGAACGGCCGCGATTGTCTTAGT

>trans\_c\_9744 AB039927|Arabidopsis thaliana mRNA for ERD3 protein, complete cds

GAATTAGATCTGTCATCAGATCAACGTATGCGCTAACGCCATGAGGAAACATAGTTCCTCCACCAGGAAAATT  
TTCACCTTCTTTCCTTAGCCAATTTTGATTAGATTTCTGCTTATTGAT

>trans\_c\_9745 HM596916|Cucumis melo subsp. agrestis internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

AGGGACACACACTGGCCTCCCGTACGCACCGTCGTGCGGATGGCTTAAATTCGAGTCCTCGATGCTCGTCGTC  
GCGACACTACAACGTGGTCGTCAACAGAACTGCATGACATCACCTC

>trans\_c\_9746 NM\_001071968|Oryza sativa Japonica Group Os10g0567800 (Os10g0567800) mRNA, complete cds

TCAAAGCATTTGGAGTCTGTGATTAGAGCTCGTATACCCAGTATCACCTCTTTGATTAACAAAAGCATCGATGA  
ACTTGAGTCTGAGATGGATCATCTTGGCAGACCTATTGCTGTTGATG

>trans\_c\_9747 Novel Gene

CAAGGAGCACATAATTCATATAGAAACCCAAAATCACAGAGGAAAAGGCCTAACAGGCAACAAGGGTCTCTG  
AATAAATTCAGTTCCTTAGTGGACAGGCCAACATGAAATGAATGGTTTT

>trans\_c\_9748 XM\_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family protein, mRNA

CGGTACGTGACGCTGATCTTTTGTGCGGTCGCCATTGGACTTTATAAACTTCTTCTCAATAGAACTTGCTACA  
GCGGAGTTTCCAATATTTGCATTTACTTTGACCAAGAAATTTCTAC

>trans\_c\_9749 NM\_001055043|Oryza sativa Japonica Group Os02g0816000 (Os02g0816000) mRNA, complete cds

TTAAAACAAAGCATTGCGATGGCTTTCATAAGCATCGGTATCATCCAGCAGCACCCAGCGGTCCCAGCTCGA  
TGAGACCTTTGTGCTGTCAGGGACTAGTCTTTACCCATCACTGCGGAC

>trans\_c\_9750 FJ104302|Pinus taeda isolate 1627 anonymous locus 2\_8942\_01 genomic sequence

TCTACGCCGTGATAGATGGAGGAGTGACGACAGAGGCAACCGTAACGTGCAACCAAGTGGTCTCCAGTTTGA  
GTCCATGTATTCCGTACGTGACGGTCAAGACTAGGGGCAGGTTATCAGT

>trans\_c\_9751 XM\_002306695|Populus trichocarpa NAC domain protein, IPR003441 (NAC035), mRNA

AAGATTGCGAGGAAGAAGGAGATTTCTTGGAGATCTATGATCTCATTGGTCTGAACCAACTCCTGTGGCAAA  
TGTC AACCTTTAGGAAATATACCACCTTCAGAGTTGGATGGATTGAG



>trans\_c\_9752 AY726670|Glycine max nitrate and chloride transporter mRNA, complete cds

AAACACACCCCCCTCCAAACAGAGGAGAAGACTACACTATCCCACAAGCCATTTTCAGTATCGATATGATA  
ATTCTTTTTATCGCCACATAAACACAGAGAGGTGGCCAGCGTCATAT

>trans\_c\_9753 Novel Gene

TGGAATAATAAGTTATAATTCATTGGTTGATTGTATGTAATTGGTAAAGAAAGAAAACCACACTCCTTGAATA  
GTACTTAGGTGACTAAAGACGGCGAAGGCAATATGAGTAGAAATTGAT

>trans\_c\_9754 FN178652|Phaseolus vulgaris partial comparative anchor tagged sequence  
candidate 12M-Gm, variety BAT93 x Jalo EEP558

TCCTTGGAGGAAGTAATCAAGCACTTCATGCATCTTCAACTGAGAAGGCAGAGCAGGCTCGTACTCAAGCTC  
AAGCTTTAGAAGAAGCTTTGGATGTTGATGATTTGGAAGCTGATAAAA

>trans\_c\_9755 FJ381782|Terminalia trichopoda 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal  
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete  
sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TACACATTCATACTTGATTACGACGTCGCGAGAAGTCCACTGAACCTTATCATTTAGAGGAAGGAGAAGTCGT  
AACACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGTGCAGACACAC

>trans\_c\_9756 AY007367|Lycopersicon esculentum tospovirus resistance protein C (Sw5-c),  
tospovirus resistance protein D (Sw5-d), and tospovirus resistance protein E (Sw5-e) genes, complete  
cds

GATCTATATGCTTTGATTGGAACAGGAAGTTCCAGAACAGGCGGCTGGTATACCACCATAATGAAACTGCCTT  
TTCTTTTTTTCGGGGTTCGCTTCGGGGGAGGGGCTTCTGGGGGAGGCT

>trans\_c\_9757 BT011826|Arabidopsis thaliana At4g34320 mRNA sequence

TCTTGTGGATGCATTCTTTGATAACAGTCTCAAAGTGTTAGAATTCTGTAAGGCGTTGGAGGTGAGCTTACGA  
CGTACTCGGGACAGCCAGTTCATCTCGGCTCTCGCACTAGCAGGTGGT

>trans\_c\_9758 GQ998250|Ficus sp. Moore 315 voucher FLAS:M.J. Moore 315 photosystem II  
protein D1 (psbA) gene, complete cds; chloroplast

GTTGAAATTGAAACCATTTAAGTTGAAAGCCATAGTGCTAATAAAAAAGTGGTTGTCAGTCAGAGGCCTACCT  
ATCGGGTATTATTGGGCCCAAGGGAACCGGCCCGTTATCCTTCCACCG

>trans\_c\_9759 EU418731|Nicotiana tabacum peroxisome biogenesis factor 13 (PEX13) mRNA,  
complete cds

AGCACCTTTTAGACCGCCATCGGCTGGCAATACAAGTGATGTTGTAGAGGCTTCTGGGACTGCAAAACCGGG  
AGAAATTGTTTCTAGTTCTGATAGGACTGCTGCTGTTAATAGGAACTCA

>trans\_c\_9760 AY093790|Arabidopsis thaliana At2g20670/F23N11.1 mRNA, complete cds

GGTGGTGATCGAGCTGAATTTTAGGGCAGAGTTCGAGATGGCGAGAGCAAATGAAGAATACAACAAATTAAT  
CCGGCGATTACCGGAGGTTTTGTGGGGGGGCTAAGAGAGCCACAACCTG

>trans\_c\_9761 BT009669|Arabidopsis thaliana At1g18620 gene, complete cds

CATCCATCTGGTCATCCAATCAACCCGAGTTGTTCTTCGTTTTGGAGCAAACCAAGACAAGCAGTTTGCTAAG  
AAAGGACGACTGCAGCTCTTTGAAAGTTGCAGATTCAAAATAAACC

>trans\_c\_9762 Novel Gene

GGAAGATTAATGGAAAAGTGGGCTTCTAGACTTGTGATCCGGTAGGTAGACGGGAAACAGCAGCACAAATG  
TGGCTGGGTTTTTGATAACCAATCGGTTTCTGCTTGGTCGTATAGTGA

>trans\_c\_9763 XM\_002330576|Populus trichocarpa tubulin, beta chain (TUB8), mRNA

CTCCTGAACATCTCCTGAAACGATGTCGAGTTACCAATGAAAGTTGATGCCATTTTCAGACCCCTGGGTGGGAT  
GTCGCACACACTAGACTTCACGTTGTTGGGTATCCATTCGACAAAGT

>trans\_c\_9764 AY860847|Fabiana imbricata sesquiterpene synthase mRNA, complete cds

AGAGGAGAACAAATAATCAAGATTCAGATACACAGAGCAGATCGATTGAGCAGTTTTTCAGATTGATTGATTTCG  
TACATGTAGATAAATCGAACTAGCAAGGAAAAGAGGGATGTGTAGCC

>trans\_c\_9765 Novel Gene

GCTTCTACAACGGGGCTAAGCGATCTGCAGCAGTATGATCGACAGAACGTCGGTTAGAATATACTCGCCATCA  
ACCAGGGGTCGCCCTTGGGTTTTTCTCCGATAAGTTTAGAGACCCCAA

>trans\_c\_9766 NM\_001066268|Oryza sativa Japonica Group Os07g0506000 (Os07g0506000)  
mRNA, complete cds

CATATTTTCGCCAAGGAACTTAAACCACACAATCCATTGGCCAAGTTCATGTGCATCAAAGGAATTGTATTCTT  
CAGCTTTTGGCAGGGTGTAGTCCTAGATATACTTGTTGCTGTGGGCA

>trans\_c\_9767 NM\_128182|Arabidopsis thaliana KCS10 (3-KETOACYL-COA SYNTHASE 10);  
acyltransferase/ catalytic/ transferase, transferring acyl groups other than amino-acyl gr> (KCS10)  
mRNA, complete cds

TTGAGTTACAATCTTGGGGGAATGGGATGTAGTGCAGGGATTATTGCAATCGATTTGGCTCGGGATATGCTTC  
AGTCTAATCCTAATAATTACGCCGTGGTGGTGAGTACGGAGGTTGTAG

>trans\_c\_9768 GQ998345|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 RNA polymerase beta'  
subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CATACAAATCTCCTGTCTTCAGCTATTGGGGATCCCATTTCTGTACCAACTCAAGATATGCTTATTGGACTCTAT  
GTATTAACGAGCGGGAATCGCCGAGGGCGGGTGTACCCGATTGCGC

>trans\_c\_9769 EU375892|Nicotiana benthamiana PHO2 mRNA, complete cds

AATGCTCATGAATTTTGGCCTCAACAGTTCGTTATGGAGAAAGGCAATTGTGATGATTCAAGCATGTCTGTAA  
ATCAAAGATGGGGTGTGTACAGGCTGTTGATGCAAATACTACGCCGC

>trans\_c\_9770 XM\_002864766|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AHA11-ATPASE 11, mRNA

TGGATAGGAACACTCAATGCATATCGAATAGCAAACCTTTATGGGATCAAGAGGAATATAAAAGATGATGTTAT  
AAAGCCAAATTACACCAGCCCAACCCCAACCAATTCCTTCAATGGCA

>trans\_c\_9771 Novel Gene

TGATCAAAACCACCTTCCGAGTTCTGCAGCATTGTGGAGCGTTGGAAGCTTGTAATTTTTTAGGATTCAGG  
GCTTTAAATTTAGTGTTTATTTAATATTACCCAATGTAATAAGGGC

>trans\_c\_9772 NM\_001060348|Oryza sativa Japonica Group Os04g0608400 (Os04g0608400)  
mRNA, partial cds

GTGACAGCTTGGAGTGGTGGGCAACTGCAGATTGATGCCCTTGCAGATGAAATTC AACCTGTCTGGAATCTTG  
GTAGTCCTCCACGTGTACGGGTTGATCCAAATGCGCTCTTGCAACA

>trans\_c\_9773 DQ322695|Glycine max WRKY27 mRNA, complete cds

AAGAAGAGACTGGAGCTTTAATGGAGGAGTTGAAGAGGGTTAGTGCAGAGAACAAGAAATTA ACTGAAATG  
TTGACTGTTGTTTGCGAAAATTACAACACTTTGAGAGGACCGGGTATGG

>trans\_c\_9774 AY762614|Brassica napus glycolate oxidase mRNA, complete cds

AAAGATGGAGATTACTAATGTCACCGAGTATGAGGCTATTGCAAAGGAGAAGTTGCCAAAGATGGTTTATGA  
CTACTATGCATCTGGTGCAGAGGACCAAGTGCCTTCTCCGAT

>trans\_c\_9775 AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

AATAGATAAGAGATCGGGCGACTTTACTTTGAGATATAAAATCAATATACCTATATGGATGTAGGTATCTATA  
GGGAATCATATAAAGGTGATGTTATTATTTAGATGATGTGGAACGG

>trans\_c\_9776 AB240139|Nicotiana tomentosiformis chloroplast DNA, complete sequence

CTTCTACAATCCCTATCAAAAAATATTACTATGGTTGAGAGAAAATCAGAGTATCGACTCGGACACTAAAGT  
GGAAGTGTGTTGAATCAAGAGCAGACAGATGTGAGACAGACACTGGT

>trans\_c\_9777 AB491623|Prasinophyceae sp. CCMP1205 gene for 26S rRNA, partial sequence

CCGTGTCAACAATGTGTGAGCTTAGCGGATTCCGACTTCCATGGCCACCGTCCTGCTGTCTAGATGAACTAACA  
CCTTTTGTGGTGTCTGATGAGCGTGCATTCCGGCACCTTAACCTCG

>trans\_c\_9778 Novel Gene

ATCAACCTCCACCACAGCCACAGTCACAGCCACAAGTACAGCTGCTTCAACACCCTCAACCTGAAAATGACCGT  
CTAAATCTCAACTCTACCGTACCTCAGCAATGGACACCGATAAGA

>trans\_c\_9779 EU096498|Cucumis sativus cultivar Jinyan 4 stachyose synthetase variant 3 mRNA,  
complete cds, alternatively spliced

CTTTGTCCCAATTACGCCTCCATACTTGTTAAGGTTCCAGATCTTTAGAACAGTTTTGTTGTCAAATAATGGGTT  
CTTGAAGAGGCAGTCTCTAGTGGGGAGGGCAAATGTTGGCATCT

>trans\_c\_9780 CP001334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 16, complete sequence

GCGACTTAAGCGTATAGTGAAACGAAACGTCACGTCTAGTCCGCAGTAACTCCCTTGACTCCCCTACCCTTACG  
TTGTGTTTTAAGCTTCGCCCTCCGAGTATTTCCAGGCCAAACCAA

>trans\_c\_9781 HM363759|Solanum tuberosum asparagine synthetase 1 (Asn1) mRNA, partial cds

AAACATATGATGTAACACGATCAGGGCAAGCACACCCATGTATCTTATGGCACGAAAGATTAAGTCACTAGG  
AGTAAAGATGGTGATTCTGGTGAAGGCGCCGATGAGATTTTTGGTG

>trans\_c\_9782 AY104054|Zea mays PCO084870 mRNA sequence

AGTTAGCTATAGCGTCCGGCCTCCCCGAGGGTAGGGCCGTAAGCGTTGTGGAACCCCTGCAAGGGGATCC  
TGAAATTCTCTTCCTACATACGATGTTTGGTCACGCGCACCAATCAAAT

>trans\_c\_9783 XM\_002871052|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyltransferase family protein  
47, mRNA

GTGTATGGGTACAACGACCATTATCCACACTTTTCGCAACACCTATATCTCCTTGTAAGGATACCGAGTTCTTA  
ACCCATAAAATAAGTAAATAGTATCTCCCTGAACAAAAAGAAACG

>trans\_c\_9784 HQ236481|Sesamum indicum microsatellite M14 sequence

CTTACCATTTCGAGTCCATCACCGAGTTCTTTCACAAACGGGAAGATGATTCTCGATCTTGTTGACTTCAGCG  
TCTTCACATTATGGAAACAGTGGTGGATTGGTTCTAGATCGATGG

>trans\_c\_9785 GQ449376|Triticum turgidum subsp. durum defensin precursor (PRPI-5) gene,  
complete cds

AATGGGGTTTGCTAATTCTTTTCGAAATCCGAAGATAAAAAGGGAAACGTTCCAATCCAGAAGTTCGACGAGT  
GACCAGTAGACCGACCGGCAGGAGGGATCCGTAGCATGAAAGCTTTC

>trans\_c\_9786 Z29104|L.esculentum mRNA for signal recognition particle 7S RNA (variant G)

AGCGCCGAGCTCGGTAATGTGAGCTTGTAATCCAAATGGAGGCATTATACACCGACCTTCGCCCCGAGTTGGGT  
AAGCCATCCCAGAGAAACCCTTCTGAATGATCGGGCGGGTAAACCT

>trans\_c\_9787 XM\_002303871|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS34),  
mRNA

AAGAGAATGGATTTTTGTTTCATCTGCTGGCAAGATAGGCCTCTTTTTTCAGTTTCAGCTTGGGGGTTTCAAAGG  
CAAAGCTCATGATAATGAATGATACAATTTCACTGCAAAGGAGGAT

>trans\_c\_9788 AF420225|Fragaria x ananassa class II chitinase (chi2-2) mRNA, complete cds

ACCTGTTTCGTTATGGAGTGGATCTCTTAAACAATCCTGACCTAGTGGCTACCAATCCAATATATCATTCAAGA  
CTGCCATATGGTTTTGGATGACTTCCCATGGAAACATACCATATGT

>trans\_c\_9789 XM\_002325151|Populus trichocarpa vacuolar H<sup>+</sup>-translocating inorganic  
pyrophosphatase, mRNA

AGGCAAGAAAAGGTGTTGGAAAGGCATTTATTACTGCTTTTAGGTCTGGTGCTGTCATGGGCTTCCTCCTAGC  
TGCCAACGGTCTCTTGGTTTTGTTTATTGCCATTAACGCTCCTGGGC

>trans\_c\_9790 GU120631|Prunus persica cultivar Ruipan 4 ethylene insensitive 2 (EIN2) mRNA, complete cds

AGAGGTCTTGCCCAGATATGCAGCGAGGAGTATGATAAGTGTACATGTTTCTTCCTGGGAATCCAAGCAGAG  
GCTTCTGTGATTCTGTTAGACCTTAACATGATCTTGGGCATTTACAT

>trans\_c\_9791 XM\_002869672|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATGWD2/GWD3, mRNA

AGCAAGACGAAGGTTTATTTGGCTACAGATTTACAGCAACCTGTTACTCTTCACTGGGGTTTGTCTAGAACAAA  
TGCTGGCGAGTGGATGACACCACCTCCACTACATGAAAACAATTG

>trans\_c\_9792 Novel Gene

CATGTTTCCGAAGCATAAATTGATTTGAAATCTGCCAGTATTAAACAGCTCCGTGTAAATTTATCTTGCACTCA  
GCTACCTGTCTCCTGGTACATTCCAGTGATAAAGGAGGTAGGGGTG

>trans\_c\_9793 XM\_001691794|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GGTCTCCTCATCAGACACACCGTCATGATGCTCATTACAACGTTCCGAATTTCTTCATCACCGTTCTGATCAGT  
TACTCGCACAGGAATGTTCTTGTGAGGACCATTCTGGTCAGCTAT

>trans\_c\_9794 NM\_001068446|Oryza sativa Japonica Group Os08g0441700 (Os08g0441700)  
mRNA, partial cds

TTAGAAGAGTGGATGAGTGGGTGAAGGATCTTCAAATCGAACCATGTCTTTCAATCGACGAGGTTGGAGGTG  
ACAATGATGAAGCTACCGTCTTCCCACCCTCTCTGAGAGAACTTCAA

>trans\_c\_9795 XM\_002865785|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein 93-V (CLPC),  
mRNA

CGAGCCTGGTGTGGGAAAAGTCTATTGCAGAAGGTCTAGCGCAAAGGATTGCTAATGGGGATGTCCCTGA  
AACAATTGAAGGAAAGAAGGTTATTTGGGGTTCGATGGGTTCTCCAC

>trans\_c\_9796 FJ053497|Pinus taeda isolate 4191 anonymous locus 0\_13869\_01 genomic  
sequence

ACCTATTAGCAGAGGTCCTGCTGGGAAGACACAAAAGACCTGGTATTCTATCCATGGCGAAACGACCTGGAC  
CTTGTTGCCTAGAGTCAAGAAGTAAACACAATAGCCTCAATCGGGGA

>trans\_c\_9797 AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

AACAGGGGGATATCTCACTTCACACCTTGAACGCACCGTTCTTATAGAGAGAGAGGCGCTTTCACATCTTCTT  
AACCCGAAATGGCAAATGGCTGGGGAGAGGAAAGGTTCCCCCCCC

>trans\_c\_9798 AY063718|Arabidopsis thaliana AT3g52930/F8J2\_100 mRNA, complete cds

GAAGGTGGTGTGTTGCCTGGCATCAAGGTTGACAAGGGTACTGTTGAACTTGCTGGAAGTATGGCGAAACC  
ACAACCCAGGGTCTTGATGGCCTTGCCAGCGCTGCCAAAAGTACTAT

>trans\_c\_9799 X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

GGGGCCTTAGCTGGTGATCCGGGCTGTTTCCCTCTCGACGATGAAGCTTATCCCTACTAAGAATGATCGGACG  
GTTGTGATCGACCCAGATCACAGTTGGCGCGGATTTCATCATCGCAA

>trans\_c\_9800 NM\_105779|Arabidopsis thaliana RSW10 (RADIAL SWELLING 10); ribose-5-phosphate isomerase (RSW10) mRNA, complete cds

TTCTGCAGCCGCCCAGCCGTGAAGTTCCAACAAAAGGGCACAATCTCCACCGGCATGGCTAACCCACTGCCTC  
CCAAATACTTAACCAATTTGACTCATCAACAATCACAACGAACTTC

>trans\_c\_9801 NM\_120288|Arabidopsis thaliana UNE18 (UNFERTILIZED EMBRYO SAC 18); oxysterol binding / sterol binding (UNE18) mRNA, complete cds

CAGTGGAACAATGGCCATGATAGTATCATCTCACAAGGCGACGGAATATGAGACCACCCACAACGGAGGACA  
TTCCTAAAAAGGAAATCCATCAACATCGTTAGGAATTTTTGTACGACG

>trans\_c\_9802 Novel Gene

AAAAGATTACCTATGACTAGAGAGGATACATATAGTCGGAATTTCCATTTAGGAACTTTTAGTGATTGAAGAA  
GGAAAGAGAAGACGACTACTTTAGTTTTGTGGAAATGATCGCGGAAC

>trans\_c\_9803 NM\_001052589|Oryza sativa Japonica Group Os02g0175400 (Os02g0175400)  
mRNA, complete cds

AAGGAAAGCGAGTATGGATATGTCCGGAAGGTATCTGGACCAGTCGTCGTGGCAGATGGCATGGGAGGTGC  
AGCCATGTATGAATTGGTTCGTGTTGGTCATGATAATCTGATTGGTGAA

>trans\_c\_9804 XM\_002519929|Ricinus communis 2,3-bisphosphoglycerate-independent  
phosphoglycerate mutase, mRNA

GAAGCTTCCAAGCCATTACCTTGTTTCTCCTCCAGAGATTGAGAGAACATCTGGGGAATATCTTGTCACAATG  
GTGTTTCGGACCTTTCCTGCAGTGAGACTGTCAAGTTCGGTCATGT

>trans\_c\_9805 NM\_001061194|Oryza sativa Japonica Group Os05g0149600 (Os05g0149600)  
mRNA, complete cds

TCTGGTGCAGGTCTACTGTGCTTCTCCCTCAAGGATGGTAAGACCATAGAAGTGATGTACTCTTCAAAGATT  
ACGATATTTATCATACAGCTGCTGGGAGTAATCATGCGGCGGCTTT

>trans\_c\_9806 Novel Gene

TACTATAACACCGGCTGTTGGTAAGAGTGTGAACCGTTCCTCTCCTACGAAATCACTTAATACTGCCTTCTTGCC  
TGGGTTTGACGTGTGGTTATACAAACGGAGTACGCATGAGGACCC

>trans\_c\_9807 AY108463|Zea mays PCO065874 mRNA sequence

CGGCATTTGCTCAATTTAACTTCTGGAAATGAGAACCCTTCAACTCTTATATCCTTTGCCACAAAGACACTTA  
ATGCTGGACAAATCACGTCCAAGTTACATGTGTAACCTTGGGTTGT

>trans\_c\_9808 XM\_002334740|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS57),  
mRNA

AAGGGTTGGTGGCCAGGAAAGAGGAGTCGGGGGCAAATATATATCGAGCTCTCAACTGTAGGGAGCCTGCC  
AGTGATGATTTGCTATCTTATATGCATATATCGCGCAGGCGAGTAAAAC

>trans\_c\_9809 XM\_001762875|Physcomitrella patens subsp. patens HO2c heme oxygenase (HO2c)  
mRNA, complete cds

ACCCGCGGCGCACTGGTCATCGGATGAAGCACATGGCTATTACAACATATAGCAACAATAACACCGGAGATA  
ACAGAACTAAAGGGGAACATAATGTGGAAACATGTAACTTCTTT

>trans\_c\_9810 GQ998818|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C cytochrome f protein (petA) gene, complete cds; chloroplast

CCGGACCCTGCGACTAAGAAAGATGTTCACTTCTTAAATATCCCATATACGTAGGCGGGAACAGGGGAAGG  
GGTCAGATTTATCCCGACCCCTCATTCTCATTATTATTACAAAATAAT

>trans\_c\_9811 HM992942|Malus x domestica cultivar Royal Gala C-repeat binding factor  
transcriptional activator (CBF1) gene, complete cds

TGACGCGTGAGAAGACTGAAGAGGAGAACTCCGGCAAGTGGGTCTGTGAAGTGAGAGAGCCCAGCGGAG  
GACTGGAAGCCCAAGAACCATGAAAAGGTTGCCGGGACTAACAATTCATC

>trans\_c\_9812 GU357635|Olea europaea cultivar Koroneiki diacylglycerol acyltransferase type 2  
mRNA, complete cds

CATGTGGTGGTGGGAAGACCCATTGAGGTGAAGAAAAATCCAAATCCCACGAGTGATGAGGTGCTTGATTTA  
CATGGTCGGTTTGTGAAGCACTCGTTAATATATTAGCCCTGCGTGGC

>trans\_c\_9813 AY968440|Neosomitra sarcophylla ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial  
cds; plastid

AATAGGACTATTCGGAGGGGCTGGAGTAGGTAAAACAGTACTCATTATGGAATGTCGACCACCACGGTAACC  
CTAGACGTTCTTGTGCGAGTGCGGGTTTTCTGCTTGTCATATGAGT

>trans\_c\_9814 AY143874|Arabidopsis thaliana At3g25910/MPE11\_6 mRNA, complete cds

AACTGCAATCATCATTTGGAGAGGATAGAGTTGATGATAGTATTTTACCCATTGATGATGGGGGTTGGCTCA  
CAGTTTTTTTCTTATTCGAGTTTTTAGACCTGAATCCTCATCTTCC

>trans\_c\_9815 Novel Gene

TGGCTCCAAAGGTGGAGATCAGCCATCTTTCTCTGACTCCGTTGCAGAAGATAAATTCAGCTTGATTCTCAGG  
CTGTCGATGAGGTCATATTACACCTAACGCGACTGGACTTACACAA

>trans\_c\_9816 NM\_001070392|Oryza sativa Japonica Group Os09g0549300 (Os09g0549300)  
mRNA, complete cds

TTCACTCTGGTATGTATGGCATCCCACTGTATTTCCCATGCACAATATCACAAACCCAGCTCGATGAACCTGA  
ACCGTATTAGTTTTAGTGTCTTGAACCTCAAGGATCCATCTAGGTT

>trans\_c\_9817 DQ091761|Medicago truncatula N-acylethanolamine amidohydrolase mRNA,  
complete cds

AGGAAGGGAGTCCACTGTCTATCTTGGATGGGATATTCATAGCAATCAAGGATGATATAGACTGTTACCCTCA  
TCCAATAAGGTGCATCAACATGGATGCATGAGGTACAACTCACAG

>trans\_c\_9818 DQ520283|Arabidopsis lyrata S receptor kinase SRK16 gene, exons 1 through 7 and  
partial cds

GGTTTAAGCCAAGATCACCTGATAGTTGGAAAACAGGGGAATTTGCAGACGGTTGTGAACGAAACAACTGA  
TGAAGTGCAGGTGATGACTGGTTTGGGTACACGAGACCAACTCGTCCAC

>trans\_c\_9819 NM\_001073758|Oryza sativa Japonica Group Os12g0605800 (Os12g0605800)  
mRNA, complete cds

AAGATGAATCACAGCATAAGCCTGGTTTTGAGGCAGCATCCAACCATCCTCAGGGAAGTGTGTTGCTCCCAT  
GGCTGGTCTAGTCGTAAAGTTCTAATGAAAAATGGTGATGAAGTTG

>trans\_c\_9820 XM\_002869554|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA recognition motif-containing  
protein, mRNA

TGGTCGAGGCTGTGATCATGAGGGATCGCACCCTGGTCGTGCTCGTGGCTTTGGTTTTGTTGTCTTTGCAGA  
TCCTGGTGTAGCCGAGCGAGTCAGGGGTGACAACACATGGCGATCGT

>trans\_c\_9821 NM\_001050665|Oryza sativa Japonica Group Os01g0728400 (Os01g0728400)  
mRNA, partial cds

CAGTAAAGATTTATGATACATGCGCGAAACACGTCTGGCACACTTAGATCCATTTTGTGAGCACGCCGAGGGC  
AGCGTTCCAAAATAAGCACGGGATCGGATGGGCGATCCTAATCTTGT

>trans\_c\_9822 HM122461|Malus x domestica BHLH domain class transcription factor (BHLH9)  
mRNA, complete cds

CTTGGTCACCCCTTTGAACATAGGATTCGGGCATGAGTGAACGTAAAACCGAAAGATGTTTCATTTCATTTGTTTA  
CGGCGGTTCTTTCAACAGCAATGTGTGTCATTCTTTGTGTTTCAG

>trans\_c\_9823 AB158510|Zinnia elegans ZeGSH1 mRNA for gamma-glutamylcysteine synthetase,  
complete cds

TCGCTTATTTAGCTTCTGGATGCAAGCCTAAGGAAAAATGGAGAATTGGTACAGAACACGAGAAGTTTGGTTT  
TAATATTGAACTTTACGTCCCATGACGTATGAACACCGCTAGTTCG

>trans\_c\_9824 Novel Gene

GGAAGATGAAGTTTCGGGAAATATCGGTTCTGGTTCTATGTTTGCTTGGGTTTGTCTTGGAGCGATCGCAGA  
TTCTCACACATGTCCTGCTGATCTAAATAGTGAATGCAGTCAGGAGT

>trans\_c\_9825 XM\_002877488|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alpha-glucan phosphorylase 2  
(ATPHS2), mRNA

GGTCTCCGAAAAATTGCAGACAATGCAGATCTTCAAGCTGAATGGGCATCTGCCAAGATGGCTAGCAAGGTG  
CGGTTGGCACAGTATATCGAGCAAGGTGACCGTAATCGTTTGACAGC



>trans\_c\_9826 EU919573|Alkanna macrophylla voucher FI-HB 02.02 internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

CCCCGAAATGCGTTGAGCGCGTCGTCAACTGACCTGTCTCGAAAACGGGATGTCACTTGACGATAGTGGTTAC  
TCCCCAGCCAACGTTATGACGATCTCCAACCAAACGCCAAGATGG

>trans\_c\_9827 Novel Gene

ATAAAAAAAAAAGCTTCGTAAAAAGTCAAGAGCTGTTCGGAGGTGCTAGACTATCTTGTATAAGGCGAAAGTC  
AAACAGATCTAGAGTAAACGATTGTTCTACCTATTTTTTTTTATTTT

>trans\_c\_9828 AB437371|Salicornia europaea OEE2 mRNA for 23 kDa precursor protein of the oxygen-evolving complex, complete cds

TGGAAAGCTTTACATTTGCAAGGCACAAGCAGGAGACAAGAGGTGGTTTAAAGGAGCAAGGAAGTTTGTGG  
AGGGTGCAGCTAGTTCTTTCAGTGTGTCCGGAGGAAAGAGGGATGACA

>trans\_c\_9829 GQ249255|Capsicum annuum WRKYd transcription factor mRNA, complete cds

TGTTCTCGGCAGAGAGACAGAGGGGTGACCATATTTCTCCATTGATATCCATCTTTAACAACCAGATTTGAAT  
CAGAAGCTCCAATTTTGACTTGAACCTCTAGGAGCCAATCCTTTTCC

>trans\_c\_9830 XM\_002527818|Ricinus communis carboxyl-transferase, subunit of Het-ACCase, mRNA

GAGAGACCAAACCTGTCACACTTCCATTTGAGAAGCCTCTGGTAGATTTAGAGAAAAAGATTATTGAGATTC  
GTAGTTTGGCTGATGAAACCGGTTTAGATTTACCAGCAAAATTCTA

>trans\_c\_9831 DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

CTACGTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTGGAAGTTGATCCGGGGCAA  
GTGTTCCGATCTATTATGACATAGCCATGAGGCGCTCAACGGACCTTT

>trans\_c\_9832 NM\_001067414|Oryza sativa Japonica Group Os08g0120500 (Os08g0120500) mRNA, complete cds

GGAGCTGAGAGATAGCTCTTCTCAGCAGTCTGAATAGCCTGAGTTCCTTTAGATGATTCCGACAATGCCTTCCT  
TGCCCTGGCTAGAAATGCTGGGGGAAGTATGTCATCAACTACAGCA

>trans\_c\_9833 X54722|B.vulgaris mitochondrion DNA for repeat II (partial) and Fo-ATPase subunit 6

TTTTTCGCTTTTACAGCAGCTCTTCCACACCTCCGGATATCTGGTGCCAAATTGTCGCCTTTTTCCTTATTCT  
TTGATTTTAGAGTTGGCTATCTTGTGGCATTGATTGTACAAG

>trans\_c\_9834 Novel Gene

TTGGTACATTTTAAGATGTAAGTCTGGACAACAAGAAACAACACCATCATCATCATGACCATCACAACTTAA  
ACATAAATCTCAACAACAACATTATAGCTTCGGACAAACCAACATT

>trans\_c\_9835 Novel Gene

GAAAGAGGATGAGTTGCCCCGAGACTGTTCTAATCATCTCGAGTTCTACATTGATCGGGGTGATGATCGGCG  
GTTGATCCCAGTTGATTTGATCGATTTTTCGGCCCTGATGACGATAA

>trans\_c\_9836 FJ708776|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

ACTGGCAGCAACTGAGTCATGAAAATTGCTTGTAGCTTCTTTTATCTCCTCCAATGAGAAAGTCCTACACAATG  
GAAGGCCTTGAATGCCTAACTTTGCAGCTTGAGAAACAAACCCTGC

>trans\_c\_9837 NM\_101340|Arabidopsis thaliana hydroxyproline-rich glycoprotein family protein (AT1G14710) mRNA, complete cds

AGTGCTTCATATGCAGCAATACTTTTCAGTTGCAGAAGTGATGTATGCCCTTCAGCAGGTGACCTCAAGGAGG  
CAGCAGAGGTATATGGACCCTGTGTTCTGTTTAAATCAACGACGGCT

>trans\_c\_9838 NM\_125779|Arabidopsis thaliana RSW3 (RADIAL SWELLING 3); glucosidase/  
hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds (RSW3) mRNA, complete cds

CGGGGGACGGACTGAGTACACCAAGTGTGACGGGGACTTCAGCAATGCCCCAGCTCTTTGCAACAGCATATCA  
TCAATGTAGGTGGAATTATAGGGATGAAGAGGATGTTGCACATGTTCT

>trans\_c\_9839 X75898|S.oleracea pgm mRNA

ATTGTCACCGACGCCCCGTACCAAGTGTGCTCTCACAAAGTTCATTACCAATCGAGGTGGACGACATTGTCTGTA  
CCGTGTCGGGTATCGTCCGTGTGATCAAAAGGAATCCCCAGACCA

>trans\_c\_9840 AB189844|Daucus carota DcLSLP mRNA for lateral suppressor-like protein, complete cds

ACTAGATTCGGTCATCTTAGGAATGCAGAACCTGTTGGAAGTTCTGAGACTATCGTTGAGAACAGTGGGCAGC  
ATGATAGAGATAGTTTACCATCACTTGCAGCATAATTATTATCAAGA

>trans\_c\_9841 AC019013|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana, Clone T5E15, Chromosome V, complete sequence

ACGCCTTACTTAGCATCCAAAAGCAGCAGTCCTCTTTGGTATGCAATCAGAAGAGCATCTGCTCATATTATAGT  
TTTATCTGCCTACTCTCCGCCACAGGACGTGTGTTCTGGCAACAC

>trans\_c\_9842 XM\_002863505|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata methyladenine glycosylase family protein, mRNA

GATAACTCAATTCGAATCCTCCAGATTAAGAAGGAATTTGGGTCAATCGACAAATACATTGTTGGGATTTGTGG  
GTGGTGGGTTGCCTCTGTTATGACGTGGGCTTAATTGTGGGGCCTTA

>trans\_c\_9843 XM\_002313111|Populus trichocarpa UDP-glucuronosyl/UDP-glucosyltransferase (UGT84B2), mRNA

TCATCAAAAAGCTAAAGGCTGTTCTTGGTGGGAGTGGTTAGAATCCCCAACCATGTGTTTGCTTTAGCCATTC  
TGCATTTCCAAGTAACAAAATGGATTGCGTGGAGGGGGGGGGAGGG

>trans\_c\_9844 NM\_001052589|Oryza sativa Japonica Group Os02g0175400 (Os02g0175400)  
mRNA, complete cds

AAGGAAAGCGAGTATGGATATGTCCGGAAGGTATCTGGACCAGTCGTCGTGGCAGATGGCATGGGAGGTGC  
AGCCATGTATGAATTGGTTCGTGTTGGTCATGATAATCTGATTGGTGAA

>trans\_c\_9845 AY105490|Zea mays PCO147287 mRNA sequence

CTGATCTTTGCCCACTTCTTGCTCTCACCATTCTCCTCAACGGAATCCAACCTGTCTTATCTGGCGTTGCGGTTG  
GGTGTGGTTGGCAAGCTTTTGTTCCTATGTAAACGTCGGTTGCT

>trans\_c\_9846 NM\_001056378|Oryza sativa Japonica Group Os03g0298400 (Os03g0298400)  
mRNA, complete cds

CATGCCATCGTTTCCTCTTCTGTTGGGCCGGAGTATTACGTTGGTATTATGTCTTTTGTGATAAAGATCAGCTT  
GAGCCTGGGTGTGCACGGGGTCGTACACCGCCTTGACAGGAATGG

>trans\_c\_9847 AF104392|Cucumis sativus extensin-like protein (EXTL) mRNA, partial cds

TGGGGCAATATGTGGTGGTGTCTGGGGGGAGCAAGTGTAGCCAGGAGGAGGGGTTTTCCCGCAAGTGATAAG  
GAGCTGAAGAGCAATAGGAACATAGATTTTAAGGTTAAGAGCCTTAATC

>trans\_c\_9848 BT011957|Arabidopsis thaliana At5g16190 mRNA sequence

GTTGCACACAAAGGCAGGCACAGATCAAAAGCTCCAACCGTTCGTCATTCTTCTCTGAGGATGTCTTCATCAGC  
TCTTGCCTCATCAACTCGTTAGACTTGGACCTTCCGCCGCCATACG

>trans\_c\_9849 HQ259596|Petunia x hybrida ethylene-responsive-element-binding factor 2 mRNA,  
complete cds

GAAAGCGAAAGAATCAGCGTAGGGGAATCCGACAGCGACCATGGGGTAAATGGGCTGCAGAATAAGCACTG  
GGTGCAATTCCTCAAGCACACACCGACCCGTGAAAGCCGCTGTCAGGA

>trans\_c\_9850 EU409604|Ipomoea nil chloroplast heat shock protein 70-1 mRNA, complete cds;  
nuclear gene for chloroplast product

ATGGAGATAGGCTTGTGGGTCAAATTGCTAAACGACAGGCAGTTGTAAATCCTGAGAATACTTTCTTTTCGGT  
GAAGAGGTTTATTGGTAGAAAGATGTCGGTCTACCTACTCTACTCG

>trans\_c\_9851 NM\_001185346|Oryza sativa Japonica Group Os01g0272800 (Os01g0272800)  
mRNA, partial cds

TGAGCTTATTATTCTTCTTGACATGCGAACGGCTTATCCTCCTTGATGTTGATTGGAAGGAATTGAGAGATT  
ATAGCATCCTTCTCTACCATTGTGGCTTTTATGAGCAATCTCTTGA

>trans\_c\_9852 NM\_001048313|Oryza sativa Japonica Group Os01g0106700 (Os01g0106700)  
mRNA, complete cds

AAGAAATAGATATAATCAAAATAGATATTTTCTCTAGTATACTTTTACATTGGCTAAGAAAGTAAAGAAACC  
CAATGACCGGTAGGCGGGAGAGGGGATTCGGGGGCGTTATATTTT

>trans\_c\_9853 XM\_002501871|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4 methionyl-tRNA synthetase (MICPUN\_58148) mRNA, complete cds

TGAGCCGGGACCCCACTGATTTTGACCTTAATGAGGATGCCTCTGGATCTAGGCCGCCGTTTCCTTCCCAACAG  
CATCAATTCGGAGAGAAAGCCCCTTTCTGGTGGAGGTTCTGGCCCT

>trans\_c\_9854 XM\_002892012|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

AGATAATGTAATTGGTGAGGGTGGGTATGGAATTGTTTACCATGGCATATTGGAGGATGGAAGTCAAGTTGC  
TGTGAAGAATTTGCTAAATAATAGGGGACAAGCCGAGAAGGAGTTCAA

>trans\_c\_9855 Novel Gene

TTGACCATCAATTCCATGTCCCTGAACTGCCTTATTTTTCTCGAATATAATTTCTATATATTATCAAGCATCATGT  
AATTGATCTTACCTTTCGTCTCTTGTGTGAGAGTAGCGGTGCGC

>trans\_c\_9856 Novel Gene

GTTGGAATGCAAATTTTGCTCCTTTTTATAAGTGTTGGGACATGATCATAAGATATTATCTACGCTACCGAGCT  
TAGACCTGTTTGGTTTATCAATATAGAAGTTGCTGCGAGTAAAGAG

>trans\_c\_9857 NM\_114549|Arabidopsis thaliana TOPP5; protein serine/threonine phosphatase (TOPP5) mRNA, complete cds

AAAGTTCTAGATAATCTCCTTGAGAAAGAGAACCTGCTTTACGATTTCTTATGGGTCTTTGTGTAGATGTTTTC  
GAAGCGCGATTCCGAGCACCTCAACGATCCAATTGATCAAGATG

>trans\_c\_9858 EU157911|Vitis vinifera Myc2 bHLH splice variant mRNA, complete cds, alternatively spliced

CTGCTGACACTCTTTTCTTCATCCTTTGTTGGCTCTCATCTTCAAGCTGTAGACTAAGAATCTGTGTAGCTTCTGT  
TTCATCTCCATCCCTAGGATCTCTACACGATCCATCTCCCCATC

>trans\_c\_9859 NM\_129687|Arabidopsis thaliana GLU2 (GLUTAMATE SYNTHASE 2); glutamate synthase (ferredoxin) (GLU2) mRNA, complete cds

CATGGGATCTTTTTGATAATTGGGCCAGTGGGCAGGGGATTCCTTCATTTGATAAGTTGCATACTGGCGTTGG  
CATGGTTTTCTCCCTAAAGATGCGTTGTCGCGTATGAGAGCAGGA

>trans\_c\_9860 NM\_001187762|Oryza sativa Japonica Group Os06g0245800 (Os06g0245800) mRNA, complete cds

GATCTCAGTGTCACAAAGAGGTCGGTGGTAGTTGAAATCAAATCTAAGCCGGTCAAAAGCAACCAAGGAACC  
AGCTTGAGATGTTTCTTGGCCTATGGTCCTCTTAAGTGCACTGTA

>trans\_c\_9861 XM\_002883207|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TTGCCTCGTCATCACGTCCAAGACCCCGACAACTACCACAGATGCGTGTTTCTTTCGAGAGTGTTTTCTAAATT  
GAGTTGCATCACTGGAGTGCTTGCTGCTTCTTCTTACACAGTTAA

>trans\_c\_9862 AY107832|Zea mays PCO079325 mRNA sequence

AGGTATGAGAGCAGGAGCAGACAGGACTGGAAGTATGATATGAGACGCAGGAACGATGAAAACCTCTGTTCGTG  
TCACCAATCTCTCAGAGGACACGAGAGAGCCTGATCTGCTTGAGCTTT

>trans\_c\_9863 Novel Gene

GCTCCCGAGATTCTAGCAGCTCTTAACTTATCATATTGTATCCTTCTAGAAAATAGGTATGGCTTATTAAACAA  
GAGCGCATTTTCGCTAGTCTTATCGAACACGCCGCGTTTGACTGG

>trans\_c\_9864 DQ115897|Oedogonium undulatum 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGAGTATGGTCGCAAGGCTGAACTTAAAGGAATTGATGAGATGATGAGCATCTTTTCTGAATCTATGCTT  
GTTGACTTCTAAATTCAGACTACAGCCGCTCAGCTGAGTCGCTCAC

>trans\_c\_9865 Novel Gene

TAGATTACAGGTCTGGTAACTACCAACCTACAAAGCGTTTTGAGGGCATAGAGTAATACACAGGTCTTTGCG  
ACACAGTTAGCTTATATAACAAGCTTTCTGTTACTGAATCCCTGC

>trans\_c\_9866 NM\_001125213|Arabidopsis thaliana HGL1 (heteroglycan glucosidase 1); hydrolase,  
hydrolyzing O-glycosyl compounds (HGL1) mRNA, complete cds

TGACTCACATCCGGATCTACCAGCCTATTTTTGCAAGGTGGATCAATTGTTCTTTAGGTCCTGTACACCAGC  
ATACTGGAGAAGCCAATCCATCTGATGACATATCTCTTCTATGG

>trans\_c\_9867 BT008732|Arabidopsis thaliana At1g43670 gene, complete cds

GATCTCACTAACCCAGCTTGGAAGTTAAATCTTCTCAGACTCAGGAAAGTCCTCGGGCCATCGCCGTAGAAA  
TACGGACTCGGTAACGAGATCGGTTTCGATGAGCCTCGTGGGTGCCA

>trans\_c\_9868 EU305724|Populus trichocarpa x Populus deltoides galactinol synthase 4 (GOLS4)  
mRNA, complete cds

TCGGTGGCGACTAGGAGATGCAGAACCCAGAACTCGAAGTCTAGGGTCCGCTGGTCGCCACGCTGCCTA  
ACGTTCAAACCTGGGTCTGGTTTTCCGGAGGGTAAACAGGTTTCGATCT

>trans\_c\_9869 EU159402|Solanum lycopersicum inositol-1,4,5-triphosphate-5-phosphatase (5PT1)  
mRNA, complete cds

CAAAGATCTGAGGGTAACAGTAGCTACATGGAATGTTGCAGGAAGAATTCCGGATGAAGACCTTGAGATAAA  
CGACTGGCTCTGTACAGAAGACCCCGGAGATATTTATATTATAGGTT

>trans\_c\_9870 AC183495|Brassica oleracea Contig A, complete sequence

AGAGCCCGAAGCATCGGGGATATAACAGCCGTTACCACAAGCAGAGGAATGATGAACTAGAAAATGGGAA  
GTGACATCGATGATCTCATTTGCTTCAGAGTACGTTTAGTTGTATAAT

>trans\_c\_9871 EF422886|Helmholtzia acorifolia NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) gene,  
complete cds; plastid

AGTGCGTGCGAAATTATAGAAGATCTCCTTTAAGATCAAACAATTCCATCGAATTGAGTATGATTGTATGTGTG  
ATAGCATCTACTATACTAGCTTATAGTTATCCAATAGCCGCCAGG

>trans\_c\_9872 XM\_002299144|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP727B1), mRNA

TGGAACACTAGTTGTTGTACCCATAAAGTTGATACAGATGGATAGCTCAAGCTGGGGAAGTGATGCCAATGA  
GTTTAGTCCCTACCGTTTTCTATCAATGGCCTGTAATGGGACTGATA

>trans\_c\_9873 EF646377|Ginkgo biloba geranylgeranyl diphosphate synthase gene, complete cds

CATCCTTCTCCTCCTAGAAATTCATTTCTTCGTTGTAAGCTTGAGAGCTTTGTTTCTGTTTAGTAAGGAAATAATT  
TCCATTCTCAATGGCTGAATGTGGGGTGAGATGATACGAGGGT

>trans\_c\_9874 FJ384018|Petrocoptis pyrenaica voucher Schneeweiss et al. 6549 WU internal  
transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2,  
complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

CCGTTAATGGGTGATAGCGTGCCTTTTGTAGAATGGACCGGCGAGTTACGATCCCATGCAAGTGGCCTGTTCC  
TCACATTCTAATACTATCCCTATCTGAGTCCGCTTTATCTGTCTGC

>trans\_c\_9875 XM\_002866195|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

GGATCGGTTGTTTGCAACCCTTGATCCAACTACAAGGAGGGTTCAGATGAAGAACGGGAATGAATTTCTACTT  
ACGGATACTGTTGGTTTCATCCAGAAGTTACCAACTATGCTACAAC

>trans\_c\_9876 NM\_001050592|Oryza sativa Japonica Group Os01g0714100 (Os01g0714100)  
mRNA, complete cds

AGTTGGTGCCCCAATGCTTTCTTTATCCAAGTGGAGAGAGTGTTTCATCCACCAAACCCAAAATATACAACA  
CGGTCTCTGAGATACGAAACAAATATTATGATGACGATGACGAGA

>trans\_c\_9877 AY021169|Oryza sativa microsatellite MRG3494 containing (TA)<sub>20</sub>, closest to  
marker R437, genomic sequence

ATGAAGATGAAGATGCATAAGAAAATATAGAACTCCAGTTTTTGGTACATATAATCAACTAACACACATGAAA  
ATAGAGAACAAGATGGCATCATTATTCGATTATTAGATGAGTCATC

>trans\_c\_9878 Novel Gene

AATAGGAATCGGACGAGAATCAAGACCTAGAACTAAGAAATATCAAGCCCTTGGTATTATGGTACTGCGTGA  
ACCAGACATAGAGATGAAGAAAAATCATATATTAGATTACTGACCCA

>trans\_c\_9879 AL161533|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 33

ACCCAAGAAAGAGCTGAAACTGGGGCCTCTGAAAGTTGAAGATAGGGTCTCGAAGTAGATAAACCCGGGATC  
CAAAATCAATATAAGGGTTGGGACTAAATAAATGCAAAAATCAGCCT

>trans\_c\_9880 AY550990|Elaeis guineensis elongation factor 1-alpha 1 (EF1-a1) mRNA, complete  
cds

ACAAATGTTCTATTGGTGGTATTGGAACTGTCCCTGTTGGACGTGTTGAAACTGGTATCCTCAAGCCTGGTATG  
GTTGTTACGTTTCGGACCAACTGGACTGACACAGTCCTGGCCTGAG

>trans\_c\_9881 Novel Gene

AATGCCCTGACAAGTGATAAGCAAGACGACTAAGTATACTTGATCAGCTTCTAGTTATTGTGGGGACTCATAG  
GTAGGTTTTTGGGTTTCAGCTAAGTTGCATCATCTTACAAAATCACA

>trans\_c\_9882 DQ108486|Corchorus olitorius SSR marker J-83-M13F genomic sequence

AATGAAAAGGTCGTCTTATTCAAACCCCTTCTCTCCCACTTTTCTATCTCACTTCACACCTTGGAACGCACCGT  
TCTTATAGAGAGAGAGGGCGCTTTCACACTCCTCCGGTTTAGGGC

>trans\_c\_9883 AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TCTTCCGTACTAATTCAACAATGTTACTGACCACAATGTATCAAATCAAATAACAATCGATACTATTATTCCAA  
CGGTTAGACCTTTATGGATTCTTTATTTCTGAAGGGGTGTGGTAC

>trans\_c\_9884 NM\_001051008|Oryza sativa Japonica Group Os01g0786700 (Os01g0786700)  
mRNA, complete cds

TGTCACGGTTTGCAAAAAGAGTTCTTTAAACATATTACAATCATAATTACAAACGAGTAGAGCATCATTGACA  
TATTATAGAAGTGATGCATGGACATTATCCTTTTCTACTACAAAA

>trans\_c\_9885 FJ197985|Glycine max retrotransposon gmp1-125b19-re-9, complete sequence

ATTTGATTTTGATTTATCTTCTCATCTTCTCGTCACTCTATCAGATCTTTGTTTTCCGTTGGATTTTGGTTTTCTAT  
ATTTATTCGTCTCGTTTGGTGTCGGTTCGCTGTATCAGGGCT

>trans\_c\_9886 AL161559|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 59

CCTGCTGGTGGAGTGGACTCTCCCGTGTTTTACGGGACCTCCAAAACCGGGAGGCTCTTCGAACAAACAACA  
AGAGACTCTTCAGCCACCATTTTTACATTTACCAAAGAATCAGATT

>trans\_c\_9887 NM\_001057243|Oryza sativa Japonica Group Os03g0628800 (Os03g0628800)  
mRNA, complete cds

GACGTTGTTTACAAAGCAATTAECTCCATGGGTTGTCCTGATGACATGCTTCAAACCTCCGAACCTGTACACCA  
ATCATCGACGGACGCAGCATCCTCATTGTTGGTGACTGCACTAAA

>trans\_c\_9888 X52200|Mitochondrion oenothera bertiana mRNA for nad3 gene, rps12 pseudogene  
and ORF for NADH-dehydrogenase subunit 3

CGGCCTATGAATGTGGTTTCGATCCTTTCGGTGATGCCAGAAGTCGTTTCGATATCCGATTTTATCTTGTTTCCA  
TTTTATTATTATCTTTGATCTGGAAGTCACCTTTTTCTTTTC

>trans\_c\_9889 Novel Gene

AATCATCAAAGACCTTGATTCTTCTGACTCAACCACAATTTTCATGAAGGTAGCTTGCTTACTCTCAGCCGCTAGT  
TAGAGGGAAATCCGTTGACTGAGGGGCGCGGAATACGTCATTT

>trans\_c\_9890 Novel Gene

TATGATATAATGCAAGAAAAGTTTTGTAGAAAGCACACAGAAACAGACGAGAGTAACTGTGTCTATAGTGAA  
GATAATAAATCAGGTTTGGGTTCTCCTCTGGCAAACATCTCCAGTCC

>trans\_c\_9891 NM\_001058308|Oryza sativa Japonica Group Os03g0827700 (Os03g0827700)  
mRNA, partial cds

AACCACGAACAGGGATGGGTGACATTGCAGCTGACCAGGGATCCATCTTATTCACGTGGGTTTTGTCTGCTA  
GGTCTGTCACTGGATTCTGTCTGACATTTACCTCTGTCTGACGTCT

>trans\_c\_9892 3IZ9|Chain A, Model Of The Large Subunit Rna Based On A 5.5 A Cryo-Em Map Of  
Triticum Aestivum Translating 80s Ribosome

CGAAATCCGCTAAGGAGTGTGTAACAACCTCACCTGCCGAATCACTAGCCCCTAGACTAACTATTTATAACAG  
TTAATGAAAGAGCCCAATGCAAAAAACCCACAAACAACCACCAA

>trans\_c\_9893 FJ235488|Flueggea jullienii NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial cds;  
plastid

ATCATCGTCTACCTTCAAATTCAATCACTACTCTTGATTCTTTGTGGCTCACTGTTCAATTCAACCCCCAATCACT  
TTTAATCTTGGTGGGTTTTCGTTCATCTGCTGTGATCGTAGAG

>trans\_c\_9894 Novel Gene

GATAAATTATATGATTGATTAGATGTTTGGTTTTTCATGATTGAGTTTAACGAGTTTAATGAAGGTTCCACGATT  
AGACTGTTTTCTGTCTAACAATACGACCGAACGTCAAGATTACAA

>trans\_c\_9895 Novel Gene

ACAAATTCTTTGCGCCTCGCCTTTTCAGTCGAGCCTCTCCTTCTTAGTCGAGCTGCTTCGCACCTGAATTTATCTA  
CGAGCCCTCGTCAAATCTATATCGGGAATAGTTACTCTGTGCTC

>trans\_c\_9896 CP001576|Micromonas sp. RCC299 chromosome 10, complete sequence

CTCCAAGGGTACCCTGGTTGCGGGATCTGATGAAAGCGAAGAAAGCCTATCATCCACTGATGCAGAAAATGC  
TCCAGTTTTCCATTCGTGCGCGAAGCCGGAAGTTGATTGGCAACTG

>trans\_c\_9897 AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

CTAGAGCTAATACGTGCAACAAACCCCGACTTCTGGGGTTCCATACTTTGGGGCTTTATGTTCAATTTACTACAG  
TACGAACGAAAACCATGAGGCCTTTTTGTTTGAATTAGCTTGGG

>trans\_c\_9898 XM\_002886094|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger (Ran-binding) family  
protein, mRNA

CCTGGAGGATCTTCTTAGAAAAATACCATCTAAAGTTGCAAATGGTTTCCAGAGAAGGAATATGGTGCTGCA  
CAAACGTGCGATTTCATCTCCAAAACAGTCGAGTATTGCCAAACCCC

>trans\_c\_9899 NM\_001058521|Oryza sativa Japonica Group Os03g0862100 (Os03g0862100)  
mRNA, complete cds

GGAATATGCTCGCTGGCTGGTGTCTGCAAGCAGTGCTCTCTCAAGGAACACAACATCTAAAGTATACCCAGCG  
ATGTATGTAGAGAATGTTACCAATATCAATTTGCTAGTTATGTACA



>trans\_c\_9900 EU543182|Asparagus officinalis RNA polymerase II largest subunit (rpb1) mRNA, partial cds

TGATTGCAAACCTCTTGGGCCTCAATCCAAAGTATGCACGGCCTGACTGGATGATTCTGCAAGTCCTTCCAATTC  
CGCCTCCTCCTGTGAGACCTAGTCAATACTACGACACCAGTGCTC

>trans\_c\_9901 GU980966|Lotus japonicus CIP73 protein (CIP73) mRNA, complete cds

AGAGTGGATAAACAGATGCCAGTCCCTGCTTTGAAAGAACAAATTGCTTCTGTAAGTGGTGTGTTATCAGAAC  
AACAACGTCTTATATGTGCGAGGAAAAGTTCTCAAGGATGATCAGCT

>trans\_c\_9902 GU997638|Hevea brasiliensis cultivar Reyan 7-33-97 gamma-glutamylcysteine synthetase mRNA, complete cds

TCAAGGAGTCTGGCTTCTTGAATGAAGTGAAGTAGCTAGAACAGGTGTGACACCAGCTGAAAAGCTGT  
TGGAATTGTATAATGGAAAATGGGGACCTTTACAGCTGTTGTGTTTC

>trans\_c\_9903 NM\_111133|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein (AT3G02650) mRNA, complete cds

TAGACCTTACAAGTGATCTTCAAACCTGCCATGGACAATCGTCTCTAACTTCCTGGAATTGTGATTCTAATGA  
AGCCTCTCAGTCACCTATGTTCACTGCGAGGAGGTGAAGAAGACC

>trans\_c\_9904 CP000582|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 2, complete sequence

ACTGGGAACTCCTCGATTGCCACGAAGATCGTGAAGAGAAAAGCAGGCACGAAAACGAAGTAATTTCCGGCC  
AGAAGTTGATCGCCGACACGAAAAAGGAGTTAAGGGCTACTATAAGA

>trans\_c\_9905 GQ369509|Hevea brasiliensis plastid CUL1 (CUL1) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

AGAATAAAGATCCCTCTTCCGCCTGTGGATGAGAAAAAGAAAGTCATTGAAGATGTTGACAAGGATCGAAGG  
TATGCTATTGACGCCTCAATCGTGCGTATCATGAAGAGTCGAAAAGT

>trans\_c\_9906 HM122475|Malus x domestica BZIP domain class transcription factor (BZIP22) mRNA, complete cds

AAAGCTGGAAGGACTCTTTGATAGCACTACAGACCTGCGATGATATTCTCTTATGCAGATGAACTCCAGATT  
ACTAAAAGATGTATCGAGTCACTAGCTATTAAAGCATCAACTGAA

>trans\_c\_9907 EU716311|Coffea canephora mannan synthase (ManS2) mRNA, complete cds

ATTATCTCCGGCGTGCTATTCCGTTCTTGGTTCATAATCCCGATATTGCCCTTGTTCAAGCTCGGTGGAGATTCTG  
TGAATGCAGATGAGTGTTTGTGACAAGAATGCAAGAGATGTCT

>trans\_c\_9908 Novel Gene

GAAGGAGGTGAGAAAGGGAAGGAGAAAGGAGTTCCAGTGTATGTGATGATGCCGTTGGACAGTGTGACGA  
TGGGGAATACGGTGAATCGGAGAGGAATAGCTGCATTCTCAAATGTTTA

>trans\_c\_9909 DQ087931|*Larix potaninii* probable 26S proteasome regulatory subunit (sb46) gene, partial cds

GTTATTTGCATCCGCACTTCAGGTATTACATGAGAGAAGTCAGAACTGTTGTTTATTCCCAGTTTTTGGAGTCC  
TATAAGAGTGTTACCATCGAAGCTATGGCAAAGGCATTTGGAGAC

>trans\_c\_9910 XM\_001694429|*Chlamydomonas reinhardtii* nuclear pore protein (NUP155) mRNA, complete cds

AATGGGCGTCTTCACCAACTATAATAGGGAGGTCCTGGTCTTGAAGAACAAAGTCTCCCGCTTAGGTAGTTTG  
AACTAGTTGGTAATTGCTCATTAGGATTACACCTCCTAAACCACT

>trans\_c\_9911 XM\_002314289|*Populus trichocarpa* type-b response regulator, mRNA

TATGAATCTACTTCATGGAATTCCGACAACTATGGAGCCAAACAACCTTGCTAATCTCCAGCATTCTGCACAAT  
CTCATGGGAACATGACAATGCAAGTTAGTGCCCACTTCTCGGTTC

>trans\_c\_9912 Novel Gene

TTGGGGATTAACCCCAACTAGAAGCAACCTCCCTCCCTCCCTCCCCGCCGCCGCCGCCGCCGCCCTCCCTCCC  
TCCCTCCAACGAAGATCAACCCCTTAATCCCCAATAGCTAAAAGC

>trans\_c\_9913 NM\_112192|*Arabidopsis thaliana* ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

CAACAAGAACTTGATGCTGCATACCAGGAAGCTCAAGAGAAGGCTGGTGGTTGTCCATTTTTCTTTCTTTT  
CGGTCAATACCACTGGGCACGGGTGGTTAAGGTACAGAGTGATTG

>trans\_c\_9914 L43539|*Chlamydomonas* sp. (SAG 66.72) chloroplast large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene

CAGAAGCAGGTCACTCAACACTTCCAGGATTTGTCGTCGGCTTCTTCTGATGATATTTTGTGCTCTCCTGGATT  
CGGAAGCTTTTGGATGCTTTCGCCCATCACTCTTCTCTTAAATT

>trans\_c\_9915 XM\_002304310|*Populus trichocarpa* multidrug/pheromone exporter, MDR family, ABC transporter family, mRNA

CTTTTACATGGACTGGGATACAACACTCAACATGAGATCAAGAAAATTTCTTTGCTTTTCTGTGGCGGTGCAGTT  
TTAACTGTCATTTTTCATGCAGTTGAGCATCTTTGAAAACCTTAA

>trans\_c\_9916 L29260|*Arabidopsis thaliana* 1-amino-1-cyclopropanecarboxylate synthase (ACS5) gene, complete cds

AAGATTTTGAGAAGAATCATCTCAATGGGGACCGAGAACACTCGTTTAGAGATATCAGAACCCCTTGTTGGTGG  
AGCCTGAGAATCGTGGAGGGTCCGTGAGTAGACATGATTTGAGAGA

>trans\_c\_9917 AY274258|*Cucumis sativus* catalase mRNA, partial cds

GAAGGGTTCGGCGTACAAGCATATTCCTAATCAACAAATCCGGTAAAGCCCGTCTCGTGAAATCCACTGGA  
AACCAACTTGCGGGGTAAAGAGCAGTGGGGACTTCTCCGCCAAGA

>trans\_c\_9918 NM\_115897|Arabidopsis thaliana AHA7 (Arabidopsis H(+)-ATPase 7); hydrogen-exporting ATPase, phosphorylative mechanism (AHA7) mRNA, complete cds

TATCACCAAGAGAATGACAGCTATTGAAGAAATGGCCGGTATGGATGTACTTTGCAGTGACAAAACCTGGAAC  
GCTGACTCTTAACAAGTTGAGTGTGTGTTCTTGAACCTAACTCCACA

>trans\_c\_9919 GQ998517|Oxalis latifolia voucher FLAS:M.J. Moore 316 cytochrome c heme attachment protein (ccsA) gene, complete cds; chloroplast

TTAAATAAAAAAATACTATAAAAAATAACTTTGAGCATATATTAACATATATCTTTTTCGGTCATTTCAATTG  
TCATTACAATTCAGTTAATAACCTTATTAATCAATGAAACCGTA

>trans\_c\_9920 AB545981|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins, S ribonuclease, complete cds, haplotype: S4

CATTCCAATCTTTTATTATATATGCAAATAAACTCCTTTTAGCCAAGCATCGGGGAAAATTGCAAGCATTAAGG  
TACACATGTATTTCCACGGGATACATCTCATCTCCGATGTTCTTA

>trans\_c\_9921 U56419|Pisum sativum import intermediate associated protein 100 mRNA, nuclear gene encoding chloroplast protein, complete cds

TCATCTTTTCTATTACCTTGGAAGCGTGTTTTAAGGTTACTGATTCTCAGATTGAGATTGCCATCCGCGACAAC  
GCTCAACGCCTGTATATTTCTGAGCGTCCATGTTGTGATTGCG

>trans\_c\_9922 X70783|C.nucifera organelle 16S rRNA gene

TTACCTGGCCTTGACATACAGAGAACTTTCCAGAGATGGATTGGTGCCTTCGGGAAATTCATACAGGTGCTG  
CATGGCTGTCGTCAGCTCGTGTGTCGTGAGATGTTTGGTCAAGTCCTA

>trans\_c\_9923 AF206930|Humiria balsamifera 18S ribosomal RNA gene, complete sequence

GACCCGGCCAGTTAAGGCCAGGAGCGCATAGCCGGCAGAAGGGACGAGCCGACCGGACGATGAATTGGGTT  
CGTATAGGCATTTTGGATGCCGCTATTGAAATAGCTTTTCTGGCTATA

>trans\_c\_9924 AF017157|Cucumis sativus 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCGAGCGTTCGCCGGATCCTATTGGGGATGGAGTAGAAATATCTGTACACGTCTGACTCATGGGATGGGTGT  
CGTACGCGTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGTGCC

>trans\_c\_9925 NM\_001063135|Oryza sativa Japonica Group Os06g0113900 (Os06g0113900) mRNA, complete cds

CCAACAGAGAACCATCATATTTCTTTCAACCCATTGCCTTCTTTAAGTCCCGCAAGCCCATCGCTGCTGCTCCC  
ATTTCCAACGGAAGGATCGTCGCCGTTTCGATATGATGGTCCTTC

>trans\_c\_9926 Novel Gene

AGTTGGCTTTCAAGCAGTAATCGGAAAAGATTAGAGGTAGAGGTAGTAGTGGAGGAGAAAGCAATTTAGGT  
ATGTAGACTAGTGTGTATGTAGTGACAACACGGGAATCAAACCTGTTTG

>trans\_c\_9927 XM\_002893096|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1507, mRNA

TTCTGCACGACCCAGCATCTGCATAACATCTAGAGGACTCAACTCAGTCCATGCTCCTTTCTCTGGATTGTAA  
ATTTGGGTTCCCTTGATAATAACACAATGAGCTGGCAGATTCACA

>trans\_c\_9928 AY968420|Schizopepon bryoniifolius 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTAGATGCGGATTGAGACGGCGGCCTACGCCAGGCCTTTGTTACGCCGTGTTCTGCAGCGGCACACGATCG  
TGGCTGGCAGCGCGCGCCTTCTGGCGGGCTTCGGCATCTGCGCGCTC

>trans\_c\_9929 NM\_129247|Arabidopsis thaliana ABCB1 (ATP BINDING CASSETTE SUBFAMILY B1);  
ATPase, coupled to transmembrane movement of substances / auxin efflux transmembran> (ABCB1)  
mRNA, complete cds

CAATGCTTAAAAACCCTGCGATTCTCCTCTTAGATGAAGCTACTAGTGCATTGGACTCTGAGTCGGAAAAGCTT  
GTACAGGAAGCTCTTGATCGTTTTATGATAGGCGCCTTTGTCTCC

>trans\_c\_9930 NM\_001067045|Oryza sativa Japonica Group Os07g0657200 (Os07g0657200)  
mRNA, complete cds

TCAGTGTGGCCCAACCTCTTTAACTGGTGTGTCATAATATTACGCATATCCCAAAGCCTGAGGGAAGGGGAAT  
TATCATCATCTGAAGCAACAACGAGTTGAGTTGACCTCCGGCCATT

>trans\_c\_9931 XM\_001689857|Chlamydomonas reinhardtii DNA polymerase delta subunit one  
(POLD1) mRNA, complete cds

TCCTCCGTGGCTGCGGCTGCCACCCCAAATTGAGCCATCGCCTAGTGCCGTTCTATTAAGGTAACTTTGTAATT  
ATATGTTTATATCTTATATGGGGAATAACCCGCCGCGCACAAAAG

>trans\_c\_9932 FJ797606|Vigna radiata chloroplast photosystem II subunit X (MLT55) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CAAGAATTTCTTGCTCAGCATTGCTGCTGGTGGAGTAGTCGTCCTGCTATCTTAGGTGCAGTTATCGGCGTCG  
CCAATTTGCGGAAATGACCGCGGACCTGAGCTGCGGAGGCGACAC

>trans\_c\_9933 Novel Gene

GGGCATTCGTATCCTGCGCGCTCTAGCCATTAGATAATAATTGTTGTAGAAAAGTTGAGAAAAGTAACATTC  
CTTATGGTATAAGATATAAGTGCTGAACGAGTTTGTAGAGAAAAGAA

>trans\_c\_9934 BT010753|Arabidopsis thaliana At3g51430 gene, complete cds

TATCAGATACGATGGACACGGCCATTATTGGATTGGACTCTCGACGGAGATGACAGGTTCTTCTTCTTCTTGGC  
ACATTGCTCTGAAATATCCAATGTTAAGGAAGATAATGGCGATAA

>trans\_c\_9935 NM\_001188459|Oryza sativa Japonica Group Os08g0156000 (Os08g0156000)  
mRNA, complete cds

CGTCTGAACAACCCCAAACTTCGCTTCAATCTCTTCAGCTTGCTTTAGGGCTTTCTTCTGAACTTCGATCAC  
CATGGATTTGCGATTTCTTACTCTCCGGCAGAGGTTGCCAATG

>trans\_c\_9936 AY109804|Zea mays CL67\_1 mRNA sequence

AGAGAAACAATGATTGCAAAGGAGGAATGATGGAAGAATGGCATCAGAAAGTTGCACAATAATACTAGCCCTG  
ACGATGTAGTTATCTGTCAGGCGTTAATTGATTACATTAATAGTGAC

>trans\_c\_9937 Novel Gene

CAGTCAAACGCGGCGTGTTCTGAATTCTGATCGCTTTTACGCGAGAAAGGAAAGTCACCCTCTAAGCCTAAGTA  
TAGGAGTTACTGGCTATCGCATGTTTCATGGCACTCCCTTTCCACTT

>trans\_c\_9938 DQ985179|Maclura pomifera glycosyltransferase UGT75L4 mRNA, complete cds

TATTGGTTTTGATTTGAAGAACTTGATTATTGGAGTGCGACTGCGATCTGAGTTGGAGAGGGAAGTAATTTTC  
CTGTGCCCTAGAAGATGGGAGTTCCGACTCGGTCTTTATACGCACC

>trans\_c\_9939 NM\_001067507|Oryza sativa Japonica Group Os08g0141300 (Os08g0141300)  
mRNA, complete cds

AACACCCCTTGAATACGGTTGCAATAGTACTTTCATCAGGAGCAAGTATACCACCAGGAGGACGCATGTAACA  
GCTCTTTGGTGCGGTCGTTTGAATTTGAAAGCCACATGATTCTTG

>trans\_c\_9940 DQ831136|Aegiceras corniculatum ubiquitin-protein ligase (UPL) mRNA, partial cds

GACTCGTTATAATATCACCACCAAATTTATCTATATTGCCAAATATCTGTGATAGTATGACAGGTAAAGAATTC  
GTAGAGTTTGTAGGGACATACGTTGCAACTCCCAGTGCTTTCAAT

>trans\_c\_9941 AY147468|Typha angustifolia ribosomal protein S12 (rps12) gene, partial cds;  
ribosomal protein S7 (rps7) gene, complete cds; and NADH dehydrogenase subunit B (ndhB) gene,  
partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

GCATGAATCGAGAGTGAAGTTTTATTCTGTACATGCCAGATCATGAATTAGTAACTGCATCCAATCTCCAAAA  
AAATCCCACTTGTTCGAACCTTCTCTTTTTGAAGGGCGCATGT

>trans\_c\_9942 NM\_113337|Arabidopsis thaliana MYB305 (myb domain protein 305); DNA binding /  
transcription factor (MYB305) mRNA, complete cds

ATGATTGATTGAGCATCATTTCTGGAATGAAAGCTATTTTGAAGGTTAAGTTAGACTTTGGAAACCCTCTGGAC  
CTGCTGAATTACAGCAATTACATCACACTGTCGGTTGCTAAAAAC

>trans\_c\_9943 GQ997940|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 clp protease  
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

AGCGTGAAGTGCAATTAGATCTATTTTTTGGGGGGTATCCAGATTAATATTATCAATTAGAATAATTTATGGTT  
TTCTCCCATGTACTAATACGTGCAACAAACCCCGACTTCTCTCCT

>trans\_c\_9944 XM\_002322570|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP94D23v1), mRNA

CTTCGTCGGAACCTTGCCCTTATTCTTACTGAACCGCCACCGCTTCTCGACTGGTCAACAGAGGTTTTGAGAA  
ACTGCCGGACGAACACGGCGGTGTTCAAACGGCCAGGGAAAGTCC

>trans\_c\_9945 NM\_102124|Arabidopsis thaliana GI (GIGANTEA) (GI) mRNA, complete cds

GACTACCAAAGAGAGGAAACCTGTACGACCTTTGTCCCCCTGGATTACTGATATATTGCTTGCCGCACCATTGG  
GCATCAGAAAGTGACTATTTCCGCTGGTGCAGTGGTGTAAATGGGTA

>trans\_c\_9946 AF130440|Pinus taeda arginase (ARS20) mRNA, complete cds

ATGTTATGAACATCGTCCAGAATCTCAAAGGGGATATTGTGGGTGCGGATGTTGTTGAGTTCAACCCTCAGCG  
AGACACTGTTCGATGGGATGACAGCCATGGTTGCTGCTAACAACCAC

>trans\_c\_9947 XM\_002875885|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata membrane-associated  
progesterone binding protein 3 (ATMP2), mRNA

AGGGTCAGATCTACGATGTTTCTCAGAGCAGGATGTTCTATGGACCCGGGGGGCCCTATGCCCTTTTGTCTGG  
AAAGGATGCCAGCAGAGCTCTTGCACTTTAGTCATTTGAAGAGAAA

>trans\_c\_9948 NM\_125154|Arabidopsis thaliana heat shock protein-related (AT5G57710) mRNA,  
complete cds

AGCCATTAATGAACATGGCGTAATGATAGTCATAGTATGGATATTATATTGTCAGGAAGACTATTTTACCTCTT  
CTTTATTTCTTTGTTTTTTACAATACAATATCCTCGCCATAAATT

>trans\_c\_9949 NM\_111338|Arabidopsis thaliana F-box family protein (AT3G04660) mRNA,  
complete cds

AGAGAGAGGATGATCGGAGAGTTGTTCTGTGAGGAGGAAAGTGAAAATGTAGCTACGGGATCGGAGTGGAG  
AAGTGGAAACTGGGTGATGAAGATTTTGCGGGTTAGATCTCTATGAGGG

>trans\_c\_9950 AB095742|Pisum sativum OPR5 gene for 12-oxophytodienoic acid 10, 11-reductase,  
complete cds

TACAAAGCAGATTGGTTTTTTTGGTACCAACCTGCGTGTCGGAAGGTGACAATATAAATTGAGCTCTTCCATTT  
GTTAATCGTTGTGGAATCATTTTGTTCACACTGTAACTTAGGG

>trans\_c\_9951 AF239375|Paphinia neudeckeri 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal  
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete  
sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CGGACACAGGTGGTGCATGGCCTGGATGATGAGAAACCATGAAATGTACAGTTATCCCTGGCTGATTCCAAG  
TGCTGATATTTCAAACCTCTGACAGATCCCGCGAACCACCGAGTCTTT

>trans\_c\_9952 Novel Gene

CCAAAGCCGTATCAGAGCAGCACCTTACGATGTTTATGACCAATTGGATTTTGACGTACCAGTAGGTACCAGA  
GGAGATTGCTATGATCGTTACTGTATTCGTATCGAAAGAGCATAGT

>trans\_c\_9953 XM\_002877589|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AtClpC, mRNA

TGTGTTGTGTTCTGTGACATTGACCACCTTCCGTGTAACCAACATAACCAGGAGGGGAACCAATGAGCTTGGA  
AACTGTATGCCTTTCCATAAATTCATCATATCAAGGCGAATCATT

>trans\_c\_9954 HM357811|Oryza sativa cultivar SH08067 histone H3 (H3) mRNA, complete cds

AAGAGTACTAAGCTTTTGATCAGGAAGTTGCCCTTCCAGAGGCTGGTTCGTGAAATTGCCCAGGACTTCAAGA  
CTGATCTGCGTTTCCAGAGCCATGCTGTCTCCATGCCAGTAGAGCG

>trans\_c\_9955 AJ715788|Lycopersicon esculentum mRNA for anaerobic basic leucine zipper  
protein (abz1 gene)

ACTATTGATCAGAAGCATCCAGCAGCCCCACGCCGGTTTATAATTTGATGAGAAGGGCGTCTATCAATTTTCATT  
CCCTATAATTTATGTTATGGATTTCTTCCTCCCTGCCCTCGATG

>trans\_c\_9956 EF530205|Betula pendula CBF/DREB1 transcription factor 2 (CBF2) mRNA, complete  
cds

AATTTAAGGAGACAAGGCATCCAGTATACAGAGGAGTCAGGAGGAGAACTCCGGCAAGTGGGTCTGTGAA  
GTGAGAGAGCCCAGCGGAGGACTGGAAGAAACCTCCAAGCAGGGGAAC

>trans\_c\_9957 GU219479|Brassica rapa pseudo-response regulator 7b mRNA, complete cds

CCTCTATTTTATGGTTCATAATCTTGCATAAAAGACCAATGCCAGATAAGCAAGGCATGACCACCTCTGTTAGG  
ACGAGATCTATGTGATTTGTCAGATCTTCTAGCATCTTCCATGCG

>trans\_c\_9958 NM\_001051830|Oryza sativa Japonica Group Os01g0931200 (Os01g0931200)  
mRNA, complete cds

AAGTGGCAGTTATCGACGAAGATGGTGCCAAGACGGTGGAAGCGATCGAGGAACTGTAGTTGCGGTCTCG  
ACCCCGGAGCCGAAGGAACCAACCCTTCCCAAGGGAAGGGACCTAATG

>trans\_c\_9959 GQ998299|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 envelope membrane  
protein (cemA) gene, complete cds; chloroplast

GAACGCTGCAAAAAAAAAAATTCGGATTGACCAGTATTCCACCAATTAGTAACCCAAGATTCTAGGCTTTTATTA  
AATGAAAGAGAGATCCACCAGGGCAAAAATACTATAGATGCAAGA

>trans\_c\_9960 AY042810|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F10B6.14) mRNA, complete cds

AGTTCATGTATGTGCCCCATCTGTTTGAACTTTGATTGTGCAAGCAATACTTGTAGTTGGGTTGGTTGTGATGT  
TTGCTCCATTGGTGTACATCATCCACAAAGCACTCTTCTTAGA

>trans\_c\_9961 AJ422089|Muscari botryoides mitochondrion cox3 gene for cytochrome oxidase  
subunit 3

CTCTTCCCTGCTTAAGAGTGCGCGTAACTTGGGCTCATCATGCTATACTCGCGGGGAAGGAAAAACGAGCTGT  
TTACGCTTTAGTAGCTACCGTTTTACTGGCTCTAACACCCAAAGGA

>trans\_c\_9962 X60794|B.campestris mitochondrion gene for NADH dehydrogenase subunit 4

CGGACAACTCCGTTCTGTGTCCCGTGCTAGGAAGCATTATTCTTCTTTTCATTCCAAATTCAAGAATACGACTGA  
TACGATTGATTGGTCTATGTGCCTCTCTTATTACTTTTTTGTAT

>trans\_c\_9963 FM204663|Silene conica partial xy1 gene for SIX1/Y1-like protein, exons 2-15,  
specimen voucher Erixon 70

CCTCATCTTTTTCTTCTCTATTCAAATCAATTCCTCTTTGTTTTACACACAACAAAACACACAAATGGCATCAAA  
ACGCCAGAGAAGCGATGCAGAAACCGAGGATGTGAGTTCCTTC

>trans\_c\_9964 DQ370441|Clarkia lewisii probable ATPase (ycf2) gene, partial cds; chloroplast

GCCTGGGGCAAGCGCATCATGAACGTAAAATAAGCAAAAAGAAAAGGAGAAAGAAACAAGTAAAGGCGAG  
GACAAAAGGATCTCACATGTGGGAAAAAAAAAACCCAAGTCTACCGGTC

>trans\_c\_9965 EF469924|Helianthus annuus RFLP probe ZVG65 mRNA sequence

ACTGTATGGAAGAAGTCGGAGACACCGTAGATCGGCTCAACAAATCGGTGGAGGAAGTGAAGCGCGTTAGC  
GGATCTAAGAAGAAGGACTTCCTATGGCACAATCGGGTACCAGACAG

>trans\_c\_9966 AF307336|Petunia x hybrida ribosomal protein (PETRP) mRNA, complete cds

CGTGAGACTGCTCATGCCCTAAGAAAGTTGCCCTTGGCCAAAGCAAAGAGATACTTAGAGGACGTTCTTGCCC  
ACAAGCAGGCTATACCATTCCGACACCCCCACAAGAACACCAAGTA

>trans\_c\_9967 NM\_001060640|Oryza sativa Japonica Group Os04g0653200 (Os04g0653200)  
mRNA, complete cds

GGGAGCCGAAAGGCGAAAGTGAAATACCACTACTTTTAACGTAATGGACTTAACTTTAACTCTTTGAAACA  
GCAACGTTGTTTCATCACTGTGCTAGTAGTGGCTTTTATGTTGCACC

>trans\_c\_9968 Novel Gene

CATGTTTCCTTAAGGCTACTTAGCTCTAAGAATATATATGTATTGTTGTTTGAAGCTCAAGGAAGCAGATAAAA  
ATTTGAGAGAAAATGGTTGTTGTTTAGTACCTCTATTCCGTTGC

>trans\_c\_9969 AY514429|Vitis riparia splicing factor-like protein mRNA, complete cds

GAGTACACCACTGATCTGTGCACTCTAGTGGCATCCTCCTGCAATTCATACTGGACAAATGCAAAATTCCTTCG  
AATCCTTACATTCAATATCTTACCATACGGATCGAAGTGCCTCT

>trans\_c\_9970 AF537366|Oryza sativa (japonica cultivar-group) dagul gypsy-type retrotransposon,  
complete sequence

AATGCTTATGAAACCTTTGTACAGACTTATCATGAACCTCAAGGACAAAATCCTGAGATACCATCAGCACAGTT  
GAAAAGTAAGTTAAATGATTCACTTGAGAAAGAAATTCATGATG

>trans\_c\_9971 NM\_001072496|Oryza sativa Japonica Group Os12g0110300 (Os12g0110300)  
mRNA, complete cds

GATGGGGATGGTGCACCGCACGGAATGTAGGGGCCAAACCAGACCTAGTCCTCCCAGGCGGACCGTTGACA  
GTAGCCAATAGGGGTTGAAACCCGAGGGTTTTGGTAGGGGGAACCGC

>trans\_c\_9972 NM\_100662|Arabidopsis thaliana ATMPK13; MAP kinase/ kinase (ATMPK13) mRNA,  
complete cds

GGCGCCGCTGAGATTATCATCGACCGATTTCCCGATTTGGAGAAGTACGATGCTGAGCGAGCCCTAGCTACGA  
TTGAACTATAAACGTCTCAAGGCTGGCCAACGCTACGCAAACGTC



>trans\_c\_9973 NM\_105651|Arabidopsis thaliana AMY3 (ALPHA-AMYLASE-LIKE 3); alpha-amylase (AMY3) mRNA, complete cds

GAGATTCCCAATTAAACCCTTGGCACAATATTTCAAACCCGAACCTGTTCCAGAGGATATTCTCACAGGTGGT  
TCTACAGGTTTAGGCATCTCAATTATTTCTTCTGTAAAAGTTGG

>trans\_c\_9974 Novel Gene

AGTTTCCGTAAGAGATCTTCCCAGCATCGTGTGCTAAACAACACAGTGAGTGCAGAACTCCTTCTGTAGCGA  
AGGAGAACCTTGAAACTGCTACATTCGATTCCAATCATCCTTGT

>trans\_c\_9975 XM\_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

AGTAATCTCTCAAGGAGGTAGCTCCAAGAAATATAAATACAATGCTAGCAGAGAGTAGGAAGCCATGAAGAC  
AATCAGTAAGAACAACAGTAGCAGACAAGTGACTCAAGAATAATCT

>trans\_c\_9976 GQ859161|Nicotiana tabacum MYC2b transcription factor mRNA, complete cds

GAAAAGAAAGGTAATGGATATGGAGATTGAAGTTAAATCATGGGTGGGATGCGATGATCAGAATTCAAA  
GCAACAAGAAGAATCATCCGGCGGCCGAACCAGCAGTAATTAAATTT

>trans\_c\_9977 X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

TAGGTATCTTTCTATTGGCGCCGCTCACTAAATTCTGTGGTTAATAAGATTTGTAAATCGGTGGTTCCTGTTTG  
GAGAAGAATCAACAGAATAGCTAATAGCATCAAAACGGATCCCA

>trans\_c\_9978 Novel Gene

TTGTGATAGGATGTGTAAGCTAGTTCCAACAGTGACGCTTCGATATCACTTCCACGTGCCCCAGAATGGCAGA  
TGCCGTTGGTACTCCGCATCTTCACGGAGAATTCAATTCACCGG

>trans\_c\_9979 EU368651|Nelumbo nucifera SSR marker 1 genomic sequence

AAAGGAGGCAGAACAGGAACCAAGTGACAGAATGCGTCAGTGTAGAGAAGGAGGCAGACAAGGAACCAAGTG  
ACAGAATGCGTCAGTGTAGAGAAGGAGGCAGACAAGGAACCAAGTGACA

>trans\_c\_9980 Novel Gene

ATTAGTCTTCACCGCATAGAAAACCTTTGGTCTTATCTAAAACGAACTATAGATTGTATTACATAGTGTCTAGG  
AACTAGATCCGTAAGATAGCCGAAATTATTAATCGTTTCTTTT

>trans\_c\_9981 AM116756|Coffea arabica mRNA for alpha galactosidase precursor (gal2 gene)

AGAACCACCGTCTTCTCCTCGGAATCTCCCCACCCATTACATTGGCAGAGACTGGAGCCAGCCTACAAAATC  
ATGCTCCGGTGAAACAGAGCCTTACTTCGGAGGGAGGTATCCGC

>trans\_c\_9982 XM\_002873684|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S19, mRNA

CATGGCAAGGAAGATCTACTTGAGAGGAGGTCTTGGTGTGGAGCATTCAAGCGGATTTACGGTGGAAGCAA  
GAGGAACGGAAGTCGCCCTCCACACCCTCACAGGGATGACAAGACC

>trans\_c\_9983 EU368651|Nelumbo nucifera SSR marker 1 genomic sequence

AAAGGAGGCAGAACAGGAACCAAGTGACAGAATGCGTCAGTGTAGAGAAGGAGGCAGACAAGGAACCAAGTG  
ACAGAATGCGTCAGTGTAGAGAAGGAGGCAGACAAGGAACCAAGTGACA

>trans\_c\_9984 Novel Gene

CTAAGACGCCGCGAGGAGGAAAAAGAAGAGGGGGGAAGGGGGAGAGAGAGTGGGGAGAGATCGAAGGA  
AGAGATTGGATTTTTCGGATTTCGTCTTTCTCGGCGACTGAGGACGCGGT

>trans\_c\_9985 AF532623|Glycine max RING-H2 finger protein mRNA, complete cds

GTCCAAGCAAGCATGGTGAAATTTGTGCTCACAAGGTAAATGGATGAGCTTATCTCCATCTGTGAACTCTCT  
AGACATATACTACAGTCTGTTGAGGTTATTGTCATCACGTCGTCA

>trans\_c\_9986 NM\_001064250|Oryza sativa Japonica Group Os06g0505100 (Os06g0505100)  
mRNA, complete cds

TGATGGTATATTTGGTCTTGTAATATATGGCTGTGGTTTTTGCATCAGATGGAGACAAGGTGTTGGTCTGGCTT  
TTGTTTATGTGGTTTTAGGCTCTCATCATGTACGTACAACAGTC

>trans\_c\_9987 Novel Gene

ACTCAGAATCAATGGAATTCATGTATCTAAGGCTATCCATGAAAAGATCTATTCTCTCTTTCTCTCCTCCTTTGC  
AGACGACTTAGTATGCCTCACCCCGCAGTTCGGTAGCCGAAT

>trans\_c\_9988 L47609|Picea glauca heat shock-like protein (hsp18.2-like) mRNA, complete cds

GGTGTTTCGTTTACAGGATACAGACAGCTGGGAATCAAATTAACCTGTAAAACCATGTTTGCTTCTTCACGCAT  
GCATCAATAAATCTTCACTGTCTAAGTTTGGAGCCATAATTCTT

>trans\_c\_9989 NM\_001060005|Oryza sativa Japonica Group Os04g0546100 (Os04g0546100)  
mRNA, complete cds

TAAGGGGAGGCGAGAACAAGAACAAAGGCAAGGAGAGGGATGGACCGAGCGCACGAGCCGAGACACACAC  
GACAGTGGGTGCCCTTGGGGGGCGTCCACCCGGAACGGGTAGGGCGCA

>trans\_c\_9990 XM\_002877589|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AtClpC, mRNA

AGCTTTTCTGGACTTAGAGGGTTGAATTCTTTGGATAATATGTTTAGACCTGGGCAAGATTTTCATTCCAAGAT  
GGCTATTGCAATCTCTTCAAGGCGAGTAGGGAGGGCTAGCAGAT

>trans\_c\_9991 HM120303|Cardamine hirsuta phytochrome A (PHYA) gene, partial cds

ATTAATGGGTGGAATACAAAGATTGCTGAATTGACTGGACTCCCTGTGGATAAAGCTATTGGCAAGCATTTCG  
TTACGTTAGTGGAAGATACTTCTGTAGAAGTTGTCAAGAAAATGT

>trans\_c\_9992 EU161365|Adiantum capillus-veneris 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTAGTAGCAAATATTCAAATGAGAACTTTGAAGGCCGAAGTGAGAGAAGGGTTCCATGTGAACAGCAGTTGAA  
CATGGGTCAAGTCGGTCTGAGAGAACGCCTTGCGGCATGTCGTCGG

>trans\_c\_9993 FJ907095|Morinda umbellata voucher Q8839 (BRI) 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTGTAGTTTGACTCAGTTAGAACGATTTCTTTCCGACTGAGTTTTTCAAGAATCGGTGTTGTTTTTTGTTTCCTTC  
CGGCGGCTTAATGGTTCAGCTGATGAATTCCGGTCATTGAGG

>trans\_c\_9994 AY445882|Hibiscus cannabinus microsatellite HCM13 sequence

TGAAGTTTTAAAGGATCGCTTGACAGTTAGTCTGAGGTTTATCCCAATTTAAGCGTTGCAGTTAACAAGATTT  
ACAGAGATGGTGGCCTTGGTGCATTTTATGCGGGTATTTACCT

>trans\_c\_9995 CP001574|Micromonas sp. RCC299 chromosome 1, complete sequence

TCCACAAAAACAATACAGCTTTTGGGCGAGAAATTCCCAACACACGAACAAAACAAACATTCTTACTTCACC  
CACTTCACCTTCTTATTCGTTACACTGCTTCCATAGAAAGCTC

>trans\_c\_9996 AF370608|Arabidopsis thaliana protein phosphatase type 2C-like protein (F21H2.4)  
mRNA, complete cds

TGCAGTTTCTCGAGCATTCGGCGACAAGAACCTCAAGACACACTTGCGATCTGATCCAGACATAAGGAATGCC  
AATGTTGACTCTGACACTGAGCTTCTGATCTTAGCAAGTGTGGT

>trans\_c\_9997 NM\_001062296|Oryza sativa Japonica Group Os05g0461300 (Os05g0461300)  
mRNA, complete cds

CCAACACACTCCCAAATCCTCTCAGAAATTACCGAAGAAGAAGAACCAAACGATCTCTAACCCATTCCCGTCGT  
CGCTTCCACCGCCGTCACAATGCAGGCTGCCGGCCGGGGGAAAG

>trans\_c\_9998 CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

AAAGGATAGTCACTCTCTTGGGGGTGGGTTGAGGAGAGAGCCCCCTCCCCCGCTCGCCCTCGGTCTAGGCC  
CCTCCCGCCCTTGCTTAAGAAACGGAGGACCCTGCGGGTGAAGTCT

>trans\_c\_9999 AY507955|Arabidopsis thaliana PHO1-like protein (PHO1;H3) mRNA, complete cds

AAAGATGCGTGGATTTTGTACTCAACAGGTTGGAGAATGAGCACCTAAACAATGTGGGGAAATACAGGGCAT  
TCAACTCTGTGCCACTTCTTTTACTACGACGAGATGGCAACTAC

>trans\_c\_10000AB293427|Cucumis melo var. cantalupensis ETR2 gene for ethylene receptor,  
complete cds

TCTCTTGAGTAAGCATCCGAACGTGTAAGCCAGCTTCTTTCTGCTTCAGTATCATACCAACTTCTTCCGAGAT  
CCCATGTCTTCTTCTCAACATAAACTCTCTCACTTTACCTT

>trans\_c\_10001AY527193|Citrullus rehmii voucher NAM1887\_2 NADH dehydrogenase subunit F  
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

AATCATAGGAAGCCCGTTCACTCACGGACATCAAGAAGCAATTGATTTGAATATATTAGACAAATGGTTAACT  
CCGTCTATAAACTTGTTACATGAAAGTTCAAAAGATTCTGAAAAT

>trans\_c\_10002EU002528|Oxalis latifolia RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, complete cds; chloroplast

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCAATGTGATTTCTGCCAGTGCAGACTTGAAAGAGAACGTTGTTCTAGGA  
GGAATGATACCAGTTGGTACCGTCGGACTCTCATTAGCGCACCGT

>trans\_c\_10003NM\_119858|Arabidopsis thaliana NAPRT1 (NICOTINATE PHOSPHORIBOSYLTRANSFERASE 1); nicotinate phosphoribosyltransferase (NAPRT1) mRNA, complete cds

AGAAGACTTAATCCAACGCCTTACAAAGTTAGCGTGAGTGCAAACTATACGACTTCATTCATTTCTTGTGGCT  
AAATGAGGCACCTGTTGGGGAGGGTACCGTCGTCGGTCGCCAAT

>trans\_c\_10004XM\_001758181|Physcomitrella patens subsp. patens chromosome condensation complex condensin, subunit H (CPH1501) mRNA, complete cds

TCAAACGAAGAGTAGCGTTTTTCAGCCGAGCGTACTGCCGACATCGATCTTTGAGAGAAGAGATTCTGGCATT  
GCTTCCTTAATGAAGTTTATGCGTTTAGATTTCTTACATTTTG

>trans\_c\_10005AJ303199|Daucus carota sut2 gene for sucrose/proton symporter, exons 1-4

ATAAAGTGAAGTGTATCCTATTATTAATCATCATAATATAAAAAACACGTAACAAGTGAAAGTGATACACCATCA  
TAATAAAAAATGAAAACCTAGAGAATCAATATCTCTTTCTCATT

>trans\_c\_10006Novel Gene

TCAGCCATCTTGGTTTTAGTATATCAACTGAATCACAAAGATCCTCAAGAAGAGATTTCCAGGATGTTAATGCT  
CTCCATCTGAATGATACAGCAGCAGATAATATTGCTATACCCCT

>trans\_c\_10007Novel Gene

AAAAGTTCGGATGATGATGAAGGATGATGATGGGGGTGGTTCTTATTTTTGTTTTAGCAAGGGTTAGTAGAT  
AGTTTTATACTAGAAAACTTGTAAGTGAATATGATAATTCGCAT

>trans\_c\_10008NM\_117691|Arabidopsis thaliana pectinesterase family protein (AT4G15980) mRNA, complete cds

AAGAGAAAAGATTTTAGAGAGAGAACGGATGGATGATGCAATTGACAGCAAGAAAACGAAGACGAAGAAG  
AGGAGAGTATTACAGCTTCAGAGGCTCAGAGATCTACAAGAGTCTCTT

>trans\_c\_10009XM\_002894398|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mucilage-modified 4 (MUM4), mRNA

CAATTATGCACTTTGCTGCCAGACTCATGTTGACAACTCGTTTGGTAATAGTTTTGAGTTCACAAAGAATAAC  
ATCTATGGTACGCATGTTCTGGGCTCCCGTATACCCGCTGTACC

>trans\_c\_10010FJ467934|Carica papaya transgenic cultivar SunUp tetA pseudogene, complete sequence

AGATGAATAATCATCCGCTCCGGAAGAAATCGAAGAATTTCTCGGGAATCCTACAAGATCCATTGTTCTTTT  
TTCTCTGACAGATGGTCAGAACTTCCTATGAGTTCTCCGAGTAT

TATTCAGAGATCCCTATTCTATTGAATCCAGAGAGCTATGTAGTGGGGCCCCCTTCCTTGGATGTCTGAGTTA  
AAGGGCGTTCACGTTTAGGGTTAGTGTGAACAAACCTTGCTCTT

AAGGTTCA TTGGATGCACAAAGAAATTCTGAGGATGTGAGGCAAGGGACAAAGGTATATACATTGTCTGATC  
GTAATGTCCGGAGGGGGGCCTATGCAGCCGAGCGAATATAGTACGC

GTTCTACCGGCTTGTACCGCACGCTTGGTGGCTTCAAGCACATCATCGTAGAAGTATTCCTGATTTCTCTCGA  
GTGAGGAATGTTATTCAATCTAGTTGGTATCCCTCTCCAGCTAT

TTGGCGACTTTGCTATTGGGGGTATGGTAGTAATAGAAATAAGACCGACTCTCTCTCTCTCTCTCTCAGAGA  
GAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGG

TATGCGTCCTTGGATTGCGGTTGCATATTCAGCTCCTGTTGCAGCTGCTGCCGCAGTTTTCTTGATCTACCCAAT  
CGGTCAAGGAAGTTTTCTGATGGTATGCCTCTAGGAATCTCT

GCCTCTTTCCCTGTTGCCTACATTGATTCTGGCCATATGTTGAGTAAATTAGGTGGGCTTGCTATCTCTAGTCA  
AGCCTGTTATGTCCAACATTGGCCCAATAGAGCGTTTGGGAAG

CTGCAAGGAATCCAAGCAATTCGCCAAGAGGGAGAAGCAGCAGATCAAGAACTTGAGTCTGCTTTGAAGAA  
CTACGCCCCGCTATCGCGGGGCCGGAACGTGCTGCCTAATGCTAT

ATTGACCAAAACACACAGGCATTTATATGTTTCATGACTGCACTACTTCAGCTTTTTCATCGCTCCGGTATGTTG  
TATGGAGAGCTTGCTAGATTTGCGCTGGGTGAGCGCGTAGGTG

TTATAGTTTCGGGTTATTTCTAAATTCATCTCTACTACAGAACCGGACATGAGAGTTTCTTCTCATCCAGCTCC  
TCGCGAATGAAACGATTCAAAAAAATATACATGTATTTACTGA

GGCTCGAGGTATTTCTCTCCCTTGCATTCCGGTCTGTTGAGCTTGATCTTTCATGAAATCATCAAAGCCACTC  
AAGTCTACCGGTCTGTTAGGATGCCTCAGCTGCATACATCACT

>trans\_c\_10021Novel Gene

TATGGTTGTTGAAATGAGGTTCTTGAATGATTGTCGGTTTTCTTTTCAGAATAAGTGGTCTTATATTTGTGTATC  
TCACTGTGCAAGATGAGGTAATTACTTGGTATACGAAACTCCT

>trans\_c\_10022AY968413|Ecballium elaterium 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GAGTTTAACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCGGTGTTCACAGGCCGCCGTCTCAAT  
CCGCATCGGTCCATGCCCCAAGTCGATTGGCGGACCGGCTCATCT

>trans\_c\_10023AY173935|Cucumis sativus ribosomal protein L20 (rpL20) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

AGAGAGGACCTCACCGTTTAAGAAGTAACCATAGAAACGAAGGAACCCACTATTTCTTTATCCATTTCTATTTT  
TATTTATTTACTCTATTTTTGTTTTTATACCTATGCGCGCGGG

>trans\_c\_10024BT030338|Arabidopsis thaliana At2g26280 mRNA, complete cds

TGTCTTGAGTGAGCAAACAACGATTGATGAAAGTGATACTCTGAACCCTGTTGAGTTTTTGGCTCTACAGTTCC  
CTGGTTTTGCTGCTGAAAGCCTTGCAGAAGTTTATTTTGCCAAC

>trans\_c\_10025FJ814681|Phacelia rotundifolia voucher Laura Garrison ROT ribosomal protein S3  
(rps3) gene, partial cds; and ribosomal protein L16 (rpl16) gene, exons 1, 2 and partial cds;  
chloroplast

GTTGCTATCCAGTTCGAACTATCTATGGGGTATTAGGCATCAAATAAACGATATTTGTAGACGAGCAATAATA  
AGCCCTTACTCAACTTGTGTTTACGTTTTATTCAATGATCGACCT

>trans\_c\_10026L29442|Poa pratensis chloroplast 23S - 5S ribosomal RNA genes, internal transcribed  
spacer

AGCGGATAACTGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCACCCCAGAGCAGACATCTCTTCGCCTTAGTCCTTTTG  
AGATTCTTAACGATGTGATTAGAGTGATAGCAATGCTCTCAGGG

>trans\_c\_10027Novel Gene

TATCATGCTTTTTTCAACAGTGAAC TTCATTATAATTATGATTTTGGCTTGATGCGAGAACTTTATTGTGCATAT  
TCAATATTTAGTACTGCGGGGAAAAAAGCTCCCCACCTCCTGG

>trans\_c\_10028Novel Gene

TCCTATTTAAAATAAGTATAGTCGACCGTGATAGTATAGTGGTTCTATCCTCCCCCTTCTTTTCTCCCATCTG  
GAAAGAAAAAAGCGAATATTCATAGAGGGCCTTAAATAGGA

>trans\_c\_10029AY685670|Gossypium arboreum ubiquitin-protein ligase mRNA, partial cds

CGACTTGGAATCTTTATCAGCTGGGAGCTATGATGCATCCAAC TTTTATGTGTTTGATGCTCCTGTTTTTCCATA  
TGACCATATGGCAAATAATTTATTTGGCGACAGTTTGTAACA

>trans\_c\_10030AB055507|Lithospermum erythrorhizon C4H-1 mRNA for cinnamic acid 4-  
hydroxylase, complete cds

CGATTTTCATTCCGATCTTGAGGCCGTTCTTGAGAGGATATCTCAAAATCTGCAAGGAAGTTAAGGAAACGAGG  
CTGAAACTCTTCAAAGACTATTTCTGTCGAGGAGAGGAAGAACTT

>trans\_c\_10031Novel Gene

CGATATATTTTTTCTACTTCTTCCTTAATTTCTTCTTTGCCTACATCTTTATGTCTATCTATGTTGATTATCTCT  
ATAGTGCCAATCTAAGCGTACGACCCCCCGGGGAGGGA

>trans\_c\_10032NM\_118918|Arabidopsis thaliana protein phosphatase 2C PPH1 / PP2C PPH1 (PPH1)  
(AT4G27800) mRNA, complete cds

GTCTTGAATCGTATGTCACCAAATGCACGTGATACAGAGATGTCACCACAGATTCTCCATTGACAATCCATCC  
ACCTGCTTCTCTAATTCTTCTAATCTCTTGTAGTGATGTGCTGT

>trans\_c\_10033EF576662|Glycine max C2H2 zinc finger protein (N479) mRNA, complete cds

ATAGTGCGGGCTATGTGATAAATGAATGATGCTACACAGTAGATGAGAGGCAAAATTGGTATGTGCCCTGTC  
GATAACATTCTTTGTTTGATTGATCTCTTTGAACTTCAAATGTAT

>trans\_c\_10034XM\_002502794|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6 p-type ATPase superfamily  
(MICPUN\_59266) mRNA, complete cds

GAGGCAAGATCGACTGCGAGAGGCCGAAATTTAGTCTTCGGCGGTGTTACGTGGGGGCCTATCCTTTCAAT  
GTTTGTGCCTCTAAAAACTTCCGCTATATATTATCCCGGGCCACCA

>trans\_c\_10035Novel Gene

CCGAAAAGAATGGAACGCTGCTTTGCTCTGCTGGATGCGTCGGATCCCGTATAACAAGCGAGCTTTTTACCT  
CTTTTTCAAAGATGTGGGCCCAAATGCTATCCTGCAGATACTCC

>trans\_c\_10036NM\_102861|Arabidopsis thaliana AK-HSDH I (ASPARTATE KINASE-HOMOSERINE  
DEHYDROGENASE I); aspartate kinase/ homoserine dehydrogenase (AK-HSDH I) mRNA, complete cds

AATGCACTGGCAAAGGCTAACATAAATATCCGTGCTATTGCCCAAGGCTGCACTGAATACAACATTACGGTAG  
TTGTTAGGCGAGAAGATTGTATAAAAGCCTTGAGAGCTGTCCACT

>trans\_c\_10037L29442|Poa pratensis chloroplast 23S - 5S ribosomal RNA genes, internal transcribed  
spacer

AGCGGATAACTGCTGAAAGCATCTAAGTAGTAAGCCACCCCAGAGCAGACATCTCTTCGCCTTAGTCCTTTTG  
AGATTCTTAACGATGTGATTAGAGTGATAGCAATGCTCTCAGGG

>trans\_c\_10038NM\_113199|Arabidopsis thaliana LFR (LEAF AND FLOWER RELATED); binding (LFR)  
mRNA, complete cds

AGAGAGTCTTGTATCTGAGCCACAGAACAGGGGGTTGCTCTTAGCATACGAAAATGCATTTGCAGAAATACTC  
TTCTCCGATGGAAGATATTCCGACACATTGCTAGGATTTTATAT

>trans\_c\_10039GU190210|Lithospermum multiflorum voucher H.D. Hammond 11441 (NY) internal  
transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal  
transcribed spacer 2, partial sequence

AAAGGAAAAGAAGAGAAAACAAATGTTGGCTGTTGGTAGTCCTTTTACCAGTGTTCTGACGAGCTCTAGTTG  
TAATGCTTTGCTCAGAGAACTTCAGCAGGCGCAAGACTCATAGCC

>trans\_c\_10040Novel Gene

GTTATGTTTTGAAATCCTCCAACTGTTAAATCGAGTTCAACATCATGTGGGGATGAGGGGGCATTGAACCGC  
TAATCTCTTGATTGAGAGTATATGTTATAACTAATACAACGTGGA

>trans\_c\_10041U43683 | Glycine max S-adenosyl-L-methionine:delta24-sterol-C-methyltransferase  
mRNA, complete cds

GAGGCGAAAGGGAGGAGAGAGAAGCCAACTACACCGACATGGTCAATAAATACTATGATCTCGTGACCAGCT  
TTTATGAGTTTGTTGGGGAGAGAGCTTTCAAAAACCTTCTCTAC

>trans\_c\_10042NM\_001062943 | Oryza sativa Japonica Group Os05g0577700 (Os05g0577700)  
mRNA, complete cds

AGGGCTGAGTTACCTTCATTACAGAAAGATTGTTACAGAGATGTAAAGACAGAAAACATGCTATTGGACAAA  
ACACGTACAGTCAAAATTGCTGTAAACACACCATCGTGACTACT

>trans\_c\_10043GQ998735 | Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit 2 protein (ndhB) gene, complete cds; chloroplast

TTTCTTTATACTGTAGAGGCCTCTTTGAGGAATCCTTCATCAGTGGTTGTGAATGACTGATTTTTCTCAATCTT  
TTCGACCTTAGTTCCGTAGGATACCTCTGAGGTGGGGGTTGTT

>trans\_c\_10044AB009887 | Nicotiana tabacum mRNA for carbonic anhydrase, partial cds

TCACTACGACTTCATTAACGGAACCTTCGAGCTCTGGGGACTCGAATTCAACGTTACTAAGCCTTTGTCTGTAT  
GAACTCCAACATTACCGGCGGATCGATCTGGCCCCCTCTGTGT

>trans\_c\_10045AY525641 | Triticum aestivum delta tonoplast intrinsic protein TIP2;3 mRNA,  
complete cds

TGAAGGAAATTGCAGTGAAGGGAGGGTTTGAAAGGCAGGTGGTGAAGTTAACGAAGATGCTGATTGAGAAG  
TGCAACCTGAGGATTTTGACGGAGGTGTTAGCGAATTCCCATCCTA

>trans\_c\_10046NM\_001070153 | Oryza sativa Japonica Group Os09g0507800 (Os09g0507800)  
mRNA, complete cds

AGAAGGCTGTTGGAAAAGTTTCAGCAAAGAAGAAGCTGGAGAAGGTGGTAAACCCACTATTTGAGAAGCGT  
CCCAAGCAGTTTGGAATTGGTGGGGCATTGCCGCCCCCTCTTTCGAA

>trans\_c\_10047BT015584 | Arabidopsis thaliana At5g56530 mRNA sequence

AATAGTATTGAAGCTGGCTGGCAGGTCAGCCCAGACTTATATGGCGATAACAACACGCGACTCTTCACTTATT  
GGACTAGTGATGCATATCAAGCTACAGGCTGTTACAACCTCCTAT

>trans\_c\_10048Novel Gene



AAGATGAGAGTGAAGATGATTACGATTTGCGAATGAGAATAATGTTAGTGAACAGGAGCGGATTTGAGAT  
CGGCTCGGCCTTCGGGTCCCGAACGGTATTCCTTGCCTCGGCTCAT

>trans\_c\_10049NM\_001060532|Oryza sativa Japonica Group Os04g0633900 (Os04g0633900)  
mRNA, complete cds

GAAGAATCCCAATGACCCATCTCCTGGAAACCTCAGTTGGAGGATGGAGCTTCATGAATATCCTGAATCTGTC  
ATGTGGAAAGGTTACAAGAATACTTCAGGCATGGCCCATGGAAA

>trans\_c\_10050Novel Gene

AAGCGAACCCCATCTATAGAATTTTATTTTCTATTCTTAATTTTTGCCAAATACTTCAAATATTTCAAGTCAC  
GAAGTTACAATTGTTCACTATTCTACTGATGATCCCGGCTCT

>trans\_c\_10051AF314924|Phaseolus vulgaris NADH glutamate synthase precursor, mRNA, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

TGAAGCTGTCATGATGATGATCCCTGAAGCATGGCAAAATGACAAGAATATGGATCCTCAGAGGAAGGCATT  
ATATGAGTACTTCTCATGTCTTATGGAACCGTGGGATGGACCGCT

>trans\_c\_10052M90664|Wheat ubiquitin activating enzyme (E1) mRNA, complete cds

TCTGGTGCTCTAGGCTGTGAGTTTTGAAGAACCTTGCACTTATGGGAGTTTCATGTAGCAGTGAAGGGAAGT  
TAACGATTACTGATGATGATGTAATTGAAAAAAGCAACTCCGACG

>trans\_c\_10053XM\_002884803|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S14, mRNA

GAAACTCTGTCCGCATTACAGGTGGTATGAAGGTGAAAGCTGATAGGGATGAGTCCTCCCCCTACGCAGCTA  
TGCTTGCAGCACAGGATGTTTCCCAAAGGCATGGAAGGTCTAACG

>trans\_c\_10054XM\_002868113|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT3g06720/F3E22\_14, mRNA

GCCCCGTCAGAAGTTTGAAAGCGTCCAAGTTGCATTTCTCAACATAGAAAGCTTAGCATGCTCATTCAACTGG  
GAAAGAAGTGGAATCAAAGCTCCATGGCGGAGAGCAAGATCACGG

>trans\_c\_10055AF439284|Retama raetam photosystem I subunit X precursor (PsaK) mRNA, partial  
cds

CTCAGTTTAATGGCCTCAGGCCCACTGCTTCAGTAGCTCCGGTTCGCAGTCTGGTGGCCGTGCAACCGCTGAG  
GCGAGAAAATAATAATATCTCTGACACTCGTCAGTTGTGGTGCC

>trans\_c\_10056GQ997193|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 RNA polymerase beta'  
subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

CCGGTATAAAACCCTACCGAATGGCGAGATAGTTGGAGAGGTAACAAAACCCTATACTTTTCATTACAAAACC  
AATAAACCTGAAAAAGATGGATTAATAAACTGAAAGAATTTTGGG

>trans\_c\_10057L42987|Carteria radiosia large subunit ribosomal RNA gene, complete sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

CCCAAGAGTTCACATCGACGGGGAGGTTTGGCACCTCGATGTCGGCTCATCGCATCCTGGGGCTGTAGTCGG  
TCCCAAGGGTTGGGCTGTTGCGCCATTTTTCGCCAACGCGTTAGTT

>trans\_c\_10058HQ231775|Pisum sativum actin isoform PEA14-1 mRNA, complete cds

AAATGGCCGATGCCGAGGATATCCAGCCCCTCGTCTGTGACAATGGAAGTGAAGGCTGGTTTTG  
CTGGTGATGATGCTCCTAGGGCTGTTTTCCCCCTGCGGTGGTTGTA

>trans\_c\_10059Novel Gene

GAGGTAGCTAACCAACTTCTAGGAGAGAGAATGTGGAGTTCAGATGTAGGTCGGATAACAATAATAAAAATT  
ATCGAGCAACGATGAACACCTTGGGGAAATTATTGATCTAATATCC

>trans\_c\_10060AY643519|Acacia mangium CesA1 mRNA, complete cds

CAGAAGAGTTTAGAGAAGCGCTTTGGCCAATCTCCAGTTTTTATTGCAGCCACTTTCATGGAAATGGGAGGTA  
TTCCACCTTCAACCAATCCTGCAACTCTTCATTTCCTTTACCCCT

>trans\_c\_10061AY104005|Zea mays PCO062854 mRNA sequence

GGGAGGACGACAATGACTTTTTAGTTTCAGCTTTGCAAATTGACCGGCAAGCTCCTAAGGGGTGGTGAGCCTG  
ACTTAACCACTGCAGCATGAATACAGGGTGTACGTCAAACCTTTGG

>trans\_c\_10062EU181192|Triticum aestivum calcium-dependent protein kinase (CPK7) mRNA,  
complete cds

TATGGAGCTTTGCGAAGGGGGTGAGTTATTTGATCGGATTGTGGCTCGGGGTCACTATACAGAACGTGCTGC  
TGCTGTTGTACGAAGACCATTGTTGACTGGTGAGTCCCATTTCGT

>trans\_c\_10063HM235957|Galega orientalis Ca<sup>2+</sup>/H<sup>+</sup>-exchanging protein (CAX) mRNA, complete  
cds

CGAGTACGTTGTCAACACAATTGAGGAAGCATCTACTACTTGGGGTTTGTCCGTGAGTTTCCTTAGCATAATCT  
TGCTCCCTATTGTTGGAAACGCCGCCGAACACGCCGGAGCTATC

>trans\_c\_10064AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

GAGGGGAAGAAGCACTACACCTAGGAATCAACAACACGAAAACCTTTGTTATAAATTATACCTTTTCCTTATCG  
GGATCGGAACCTTAGAAAAATTTGGTTTCACCACCCACGAACGAGA

>trans\_c\_10065EU922484|Monsonia vanderietiae photosystem II CP43 chlorophyll apoprotein  
(psbC) gene, complete cds; chloroplast

TAAGTCGGGCATTCCCGGCCACCAAGCGAAACCGGTGGTTTCTTGGTCACGACCAGCTAAAGCTAAAGTTCC  
ATTAAAGAGCGTTCCACGGGGTAGAACCTCCTCAGGGAATATAA

>trans\_c\_10066AB364643|Citrus unshiu ARF mRNA for arabinofuranosidase, complete cds

GGGAGAGTTTTGTTCTGGATCTCGAAAAATGTTACGTTTGGACTCCAATAGGTTAAACCTGCTGTTCTCCG  
TTGTACATGGCTCTTGCTTCGTCTGAAACCAACCCGTCCGATTTC

>trans\_c\_10067NM\_180285|Arabidopsis thaliana DWF1 (DWARF 1); calmodulin binding / catalytic (DWF1) mRNA, complete cds

CTTCCTTCAATTCCATACCCGTTGATGAGTCCACCAACAGTAAGATCATCAAGTTCAGGAACTACAGCAAGAGC  
AAGATTGAGTGGAACAGTGGCTCTACTTATTTGCCCCATGTTCA

>trans\_c\_10068BT003696|Arabidopsis thaliana At4g04630 mRNA, complete cds

AGTTTAACCAAGCCATATTCATCATTTATCCATGAACCCATATTCCCATTCTTCCATATATCTTTGACCAATCTG  
GTATATCCAAAGGAGCTGAGGATCTCTTCACAGTTTTGGGTT

>trans\_c\_10069AP009375|Lobularia maritima chloroplast DNA, complete sequence

GAGAATGTCGGCTTGAGTAACGCAAACTAACCACTCTGCTTGATGCCCCGAAAAAAGGGGGAAAAAGAAAAA  
AAAAATCGTTTCGGGAAAAACAGGGGCACCTTGCCTCCTTGAACCG

>trans\_c\_10070EF688331|Picea abies 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase type I (DXS1)  
mRNA, complete cds

CAAAATTCTAACTGGAAGGAGGGACAAAATGTCAACTATTAGACAGACGAACGGGTTGTCGGGATTCACGAA  
ACGCTCAGAGAGTGAGTTTGATTGCTTTGGTGCAGGGCACAGCTCC

>trans\_c\_10071EU329723|Fragaria x ananassa fructose-1,6-bisphosphatase mRNA, partial cds

TTTTCTGGGGTCGAGCACAGAGCCAACAGCGACTCTGGAAGAGTTTCTCACCAAAGCAACCCCTGATAAGGG  
ATTGATCAGATTGCTGACGTGCATGGGAGAAGCTTTGAAGAAAGA

>trans\_c\_10072CT028245|Poplar cDNA sequences

AACATGTATCAAACGTATCCTAGCTCGATACAATGTGATCCAATACTGTGTCAATGCCTATCAAGGAAGGCC  
AGCCTATTGTTTTTACATATGAAGTTATGTTTCGAGGAGAGTCTA

>trans\_c\_10073FJ609180|Pisum sativum pseudo response regulator 59 (PRR59) gene, partial cds

GGAGCGTGCTGCAGGACAGGCTATCCTCAAACATTCTAGTGCTTCAGCTTTTACAAGATACACCTTCAGGCCG  
TTGCAATCACTTCAAGCAAAATCAAGCAGCATCTGTGATGAGCA

>trans\_c\_10074AF314925|Phaseolus vulgaris NADH glutamate synthase precursor, mRNA, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

GCCACAATGGAGAAATAAACACCCTTAGAGGCAACGTGAATTGGATGAAGGCACGTGAAGGTCTACTGAAGT  
GTAAGTCGTCTAACTCGCTGAGGAGTACTGGCTTTGTTCTATTGC

>trans\_c\_10075Novel Gene

CTCTGACGCCTCCAGTGTTGGTAGTCCTCCACCAATCCCGTAGCGCCACCGAGGCCACCACCAAGACCGCC  
ACCAAGGCCTCCTCCTCCAATGGCACCCCCACACCACCAAACG

>trans\_c\_10076BT015433|Arabidopsis thaliana At1g80120 mRNA sequence

CGTCTATGATTGCAAAGGCAAACTCGTCTTTCGAGTCGATTCTTATGGTCCTGATTCTCGTTATAGAGATGAAC  
TCGTTCTCATGGACCCTCATGGCCGTTGCCTCTTCACAGTCCG

>trans\_c\_10077FJ664262|Annona cherimola disproportionating enzyme 2 (DPE2) mRNA, complete cds

TATGCCGCATTCTGTTTTCTGCGAGACTTCTTTGAAACATCGGATCACAGCCAATGGGGTCGTTTCTCTCAATTT  
TCAAAAGACAAGCTTGAGAAGCTTATCTCAAAGGACAGCTTG

>trans\_c\_10078AY052711|Arabidopsis thaliana AT5g59550/f2o15\_210 mRNA, complete cds

GGTTTCAGATCGGGTTGTTGACGAAGAAACCGTAGGGTTAACGATCTGGAGGCTCCCCGGTGGTGGGTTTGC  
CGTCGGACGATTCTCCGGCGGAAGATTGCGGCCGCTCTAGAGTTT

>trans\_c\_10079NM\_121987|Arabidopsis thaliana emb2734 (embryo defective 2734); binding / lyase (emb2734) mRNA, complete cds

AATGCAATTGGGCAGTTATCTACAGACTTGGGTCCAGATCTACAAGTTCAATACCATCAGCAGGTGCTCCCTG  
CACTTGCTACGGCAATGGATGATTTCAGAACCTCGAGATGTC

>trans\_c\_10080NM\_001153022|Zea mays LOC100280084 (umc1372), mRNA

AAGCAATGACGAAGACCGGTATCAATAACAGCAACCAAACCTTGCACACCAGCAGGCTAATTGATTCTGCTTCA  
CATAAGCGTGGGGTGAGAAAAATGGCCCAGAGCAGTATGTCGAG

>trans\_c\_10081FN562433|Nephroselmis astigmatica partial 18S rRNA gene, strain NIES-252

AGGACAGTCGGGGGCATTTCGTATTTTCATAGTCAGAGGTGAAAAAGAAACCGAAGCTTTCCTCCTACAATTAC  
TTATTCGTTGGGACAATAACCTATGGGAACCTAACTATTGAGGG

>trans\_c\_10082Novel Gene

ATCCACAAATCTTGCATCCAAACATTCTTAAAGTGGAACCTGTTGAGAAGAAGCTTGCATCAAGTCTGAGGA  
GAATTTTCTTGCTGTCAGGAATTCTGATACTGGTGTGTAACTT

>trans\_c\_10083AY059846|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g42090; MJC20.20) mRNA, complete cds

AGGCTTTGAATCTTCTCTGTGAAGCTGAGGATAAATCTTATATTAAGCGTACTGGGAGTGCCCATGGTTGGGA  
TGTTCTGTTCTACATTTTGTGTTTCTGCCCTTTCGCTGTCCACA

>trans\_c\_10084AB001684|Chlorella vulgaris C-27 chloroplast DNA, complete sequence

AGAAACACAACCTTTTATGGAGAGTTTGATCTTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCCTAATACATGCAA  
GTCGAGCGCATGAAATTATTTGATTCTCTCGGAGTTGACGATAA

>trans\_c\_10085NM\_128597|Arabidopsis thaliana chloroplast thylakoidal processing peptidase (AT2G30440) mRNA, complete cds

AATCAGTTTTATGAGAATGATTTTGAGAAGAGCAGTTGGGTTTCGCGCTTGTGACTACTTATTCAGAGGATG  
CAAAAGCCCTCTTACGGCTTTGACTGTCAAGTGTGCTCTTAAA

>trans\_c\_10086AJ550021|Raphanus sativus D81Rfo (restorer-of-fertility) genomic region

ATTGGACCGAGCCTATAGTCTAAGAGAAATCCTTAAAGATTGTTCTGGATGGAAAAGGGTGGGGATGAGATT  
TGCTGTGATATTACACACCAAGGCATATTGGATCTACATTGTTAT

>trans\_c\_10087AY110856|Zea mays CL42523\_1 mRNA sequence

ATTCTGTACAAAAGAGAGGCAAATTTGGTAAGACTCGTTTTGAGCCGTAGCAGCGGAGGGTCTTGCAATTTGT  
GTTATGGAGGCAAACCTCTGTAGCTTTGTACGTATTGGCCCACT

>trans\_c\_10088Novel Gene

GAAGGACCGTGAAAAGAAAGCAAAGAAGAAGGCAACAACATCTGGATCATTTGCCACACTTCCTGATGAAGA  
ACCTACTGATGCTGATGCAGTTGAAGAGGAATCCACAGAGTGGTC

>trans\_c\_10089NM\_001069202|Oryza sativa Japonica Group Os09g0248200 (Os09g0248200)  
mRNA, complete cds

GGATACTTTTGAATTGCATCTGATTCAATGATGTAGAGTTATCCAGGCTTGTGCCAATGGTCTCCCGTCGCC  
GTCAAGCAGCTGATTTATGTCGATCTCTAGGCTTATCAGACAA

>trans\_c\_10090AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (GolS) mRNA, complete cds

TCGACTCGAGTATCAGAAATCTCTACTACGGTCCTGCCCTGTTGTTGTTGGGAAAATTTCTCCACAGGCCAT  
TTCACTTTGTCTGGGCATTGTTGGCAATACTCAATTTTGTATT

>trans\_c\_10091NM\_001065666|Oryza sativa Japonica Group Os07g0201100 (Os07g0201100)  
mRNA, complete cds

AAAGGAGCTTTCCCGTCTGCTGATGAGGTTATTATTGTGACTAGCTCCCTAATGAAGGACATGAATAGTAAG  
ACTGATATGTATCGGGCAAATGCCATTCGTGTGCTTTGTCGGAT

>trans\_c\_10092GQ997706|Nerium oleander voucher FLAS:W.S. Judd 8076 23S ribosomal RNA  
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

GGTAAGAGGAGGCTAGGTTAGCCGAAAGATGGTTATATTGGTGGAAGTATGGAACAAAAAGGTTTTTTCAGG  
GTAAGAAGGGGTAGAGAAAATGCCTCGAGCCAATGTTTCGAGTACC

>trans\_c\_10093AF262939|Pisum sativum chloroplast protein import component Toc159 mRNA,  
complete cds

CTTCTGCTGCTTTGGCAGCACTTCTGAAAGCAGCTAGGGATGCTGGCTCAGATGGTGGCCCTATCACTGTGAC  
AACTCAGGATGGCTCCCGGCTTTTTTCCATTGAACGTCCTGCTG

>trans\_c\_10094Novel Gene

AAGAAGCAGGGGAAGAAGATGAGGGCTAGATCGCAGAAGCGGAGGACTAATTCGGAGGCCAGTTTTTCGGA  
GATCGGAAAGTGTTGTTCAATCGTCGAGGTTAATAGTAATGACCAG

>trans\_c\_10095AY497476|Lycopersicon esculentum xyloglucan endotransglucosylase-hydrolase  
XTH3 (XTH3) mRNA, complete cds

ATAACTGGGAAAATATTGGAGTGTCTTACCCGAAGAGCCAACCCATGAGAGTTTATTCAAGTTTGTGGAATGC  
AGACGATTGGGCACAGCTCTTTTTCGGTTGTCCTCAGTGCCAAG

>trans\_c\_10096AJ272306|Lycopersicon esculentum lin5 gene for beta fructosidase and lin7 for  
sucrose hydrolysis

TCCCATGTCTAATTTATTTGCGCAGCCCTTAAGATCGCCTTCCTCTGTGTGAAATGGAAGCGTCTCGAGTCATA  
GCTGCGCTACAGCGAATACTCTTTTCGGAGAATTCCATAGGTA

>trans\_c\_10097AJ011383|Cicer arietinum mRNA for 20S proteasome beta subunit

CTACCGGACATGATGAGACCTTCAACAGACAAATCATACCGATATCCATTATCCAAGACACCGTAGGCATAGG  
GTGAACCAGATCCAACAGAAAATCTTGTTCTTTGAGCCTCCCT

>trans\_c\_10098Novel Gene

TTCCCCAAAAAATGAAATTAACAAAAACACACCAATCAAAGCCTTAAACACCGAAACTGTTCTTCACCATGCAGA  
TCTGGAAACGAATTCAAAGAACGGAATTGAAAATTTATGTAA

>trans\_c\_10099AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

ACCCTGAGTCAGACTGGTGGTGTGGTTTGAGTGAAGTCAAGATCCTCTTTGGCCACAGATTCCTTTTCTG  
CTTTATTTCCATTTTCTAATTCAAAAGTTTTTCTATCAAAA

>trans\_c\_10100DQ676843|Nicotiana tabacum chloroplast pigment-binding protein CP29 (Lhcb4)  
mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TTTTATCCATCAGATGCCATCCAGCGCGCTATATCGGCGAGGCGTGTTCGATGAAGGAGGAGGTTGCGGC  
GGCGGTGGCCATTACGAGAAGTTTGAGGGAGGGATTGAAGAATGT

>trans\_c\_10101CP001330|Micromonas sp. RCC299 chromosome 11, complete sequence

AGGCAAATGATGAACACCTTATTACCGCTTATTGATATACTGATGCTCTGTGCTGACTCAAACTCCGCTTATT  
ATCTGATGCCACATTCCAATTACGTGATAGCCTCTTACACAGA

>trans\_c\_10102XM\_002507460|Micromonas sp. RCC299 chromosome 1 glycosyltransferase family  
20 protein (MICPUN\_54984) mRNA, complete cds

GTGGACAAAGGGCAGAAATTCTAGTTCTTTGTCAGCCCAGAGATCGAGGTCCTGGGTGGCTGTGCGAAAA  
CTGTGTCTCAGCCTACCGCCATTAAGTGGGTGGAGTGGACACCTC

>trans\_c\_10103AF364595|Brassica napus glutamate 1-semialdehyde aminotransferase enzyme  
mRNA, complete cds; chloroplast gene for chloroplast product

AGCAGGACCAATGTACCAGGCAGGTACCTTGAGCGGTAATCCATTAGCAATGACTGCAGGGATACACACACT  
AAAGCGATTGAAAGAACCGGTACCTACGAATATCTATGAGAAAG

>trans\_c\_10104AY103728|Zea mays PCO142212 mRNA sequence

TGGTACAATATTTACAAGGATCATATTACTCTCAAGGATTATGAAATCCACGACGGCATGGGCCTCGAACTCTA  
CTACACGGCTGGCCGTACTTGTACCAAAGCACGTACTACACGA

>trans\_c\_10105X83767|P.sativum mRNA for chloroplastic outer envelope membrane protein (OEP75)

TGTGCCAAAGAGTGTCTTTATGGTCCTCCAAGGGTAAAAGCATCATAACTTGAAGGTCTCTACACAGCCAC  
CATAATGGCCATGGAGGACAAGCACAGGAGGAGGTGGTTTGCCG

>trans\_c\_10106AF071891|Prunus armeniaca 40S ribosomal protein S4 (RPS4) mRNA, complete cds

ACTGGTGGAAGAAACAGAGGGCGAGTGGGAGTAATTAAGAACAGAGAGAAGCACAAGGGAAGCTTTGAGA  
CAATTCACATACAGGATGCAACTGGGCATGATAAACGGTGAGCCAGG

>trans\_c\_10107XM\_002329600|Populus trichocarpa nadph-cytochrome P450 oxydoreductase (ATR2), mRNA

CGAAGGCTCTTGCTGAAGAGGCGAAAGCTCGATATGATAAGGCGACATTTAGAGTGGTTGATTTGGATGACT  
ATGCAGCCGATGACGATGAGTACGAATGGGGACCAAGTTTTTGAGA

>trans\_c\_10108AY097365|Arabidopsis thaliana At1g52220/F9I5\_10 mRNA, complete cds

CAGCTCTGAGTCTTCTACTTCCCTTGATATTATTAAGTCTGTTCGAAATGTTTGGGATCAACCTGAAGACCGATT  
CGCACTTTTCGGCCTGGGATTTGCAGCTGTATACCACTACGT

>trans\_c\_10109AB095910|Vicia faba Vfphot1b mRNA for phototropin, complete cds

CCCACACCCACAACATTTTCAGCAGTTTCTTTTATCAGTTTTTCGCCCTCCTTGCAGTAGTTTCCGCTATGCAAT  
TGCTTAGTGGTTCCACATGTTGACTACCGTCGAGTTGAACT

>trans\_c\_10110AB032123|Triticum aestivum mRNA for ribosomal RNA apurinic site specific lyase, complete cds

TCCCACCTTTCTACTTCTACTTCTTCTCTTCCTCGGTCATTTCCACCGTACAAATGCTCAATTTCCAACAATAACA  
ACACCTTTTCCTCCCTCGCTGCCCCGAAAATGCAACCTCTA

>trans\_c\_10111EF564282|Capsicum annuum large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

GGGAGGGAAGCGGATGGGGGCCGGCGGCACGGGGTTGATTTGTCCAGGGGTGGGGAAAACACAACAAG  
GGGTAGTACAGGAATATTCACCTGTGTCCATCGACTACGCCTTTCGGC

>trans\_c\_10112AB030698|Raphanus sativus PAQ2c mRNA for Plasma membrane aquaporin 2c, complete cds

GGCTCGTAAAGTCTCTCTGGTTCGTGCTGTATTGTACATGCTTGCTCAATGTGCCGGTGCTATTTGCGGCTGTG  
CGAACGTTAAAGCCTTCCAATCTGCTTACGATGTTAGATATAA

>trans\_c\_10113AY884151|Ginkgo biloba trehalose-6-phosphate synthase gene, complete cds

CCTATTAAAGCTAAGCGTAGACCGGACAATAAAGGCTGGAGTTTTAGTTGGGATGAAGACTCTTTGCTGTGGC  
AGCTTAAGGATGGTTTACCTGAAGATATCCTCCAAAAACGCACT

>trans\_c\_10114AB001684|Chlorella vulgaris C-27 chloroplast DNA, complete sequence

AGAAACACAACCTTTTATGGAGAGTTTGATCTTGGCTCAGGACGAACGCTGGCGGCGTGCCTAATACATGCAA  
GTCGAGCGCATGAAATTATTTGATTCTCTTCGGAGTTGACGATAA

>trans\_c\_10115NM\_124075|Arabidopsis thaliana LON2 (LON PROTEASE 2); ATP binding / ATP-  
dependent peptidase/ nucleoside-triphosphatase/ nucleotide binding / serine-type endo> (LON2)  
mRNA, complete cds

TCTGTTTTCCAACAGAGGAGAGGAAACCTGATGCACGTCTTTATTCAATGGGACAGTTTGATCTCTTTCCACAA  
CTCTAACAGCAGCAGCACGAGCCAATGCAGCCAAATTCCTTTC

>trans\_c\_10116Novel Gene

CCCCTCTTAAGCCTGTTATCCCCGGGGTACCTTTTATCCGTTGAGCGATGGCCCTTCCATTGAGAACCACCGGA  
TCACTATGACCTGCTTTCGCACCTGCTCGCGCCGTCACGCTCG

>trans\_c\_10117Novel Gene

CAAGGATTTTATTCGAGTTCTGCTATTTATTATTTAAGTTTCTTTTGTGGTCTAGACTTTTTTCCCGTCTTTGG  
AGTGTTAAGTTACTTTAGAGGGCAGCATCCCCAGAGTAAA

>trans\_c\_10118AF315713|Malus x domestica 3-hydroxy-3-methylglutaryl coenzyme A reductase  
mRNA, partial cds

GACGCTTTGGCTCTCCCTCTGTACATACCAACGCTGTCTTCTTCACGCTCTTTTTCTCCGTTGTGTATTATCTGC  
TCAGCCGGTGGCGGGAGAAGATCCGAGGTCTCACCTTCCCA

>trans\_c\_10119EU375997|Gossypium hirsutum beta-tubulin 13 mRNA, complete cds

CAGGCAAGTACATAAAAAACTGAAGACACGAATCAACATATAAGTTCCATTTATTGGGTGGATGAGTGGATG  
GATGGATCAAATGCAAACAAAAAAGTTCCTTGCAAGTCTAGATAAA

>trans\_c\_10120BT006577|Arabidopsis thaliana At1g61900 mRNA, complete cds

AGATAGCAATGATATCTACTGATTCCTGGGTATGCCTGGATCTCAAGTCTTGCCTGAACAGTCAACTAGGGTT  
CGTGATTGTAAACTATTGTCTCAGATGGCTAGCAAGCAAAC

>trans\_c\_10121L25897|Ricinus communis linoleoyl desaturase (fad7) mRNA, complete cds

GGGAGAATTGGGCAACCCAATTGTTGAAGTAAGCAGCAACAGCAGCCAAGCCAAACACCACAACCATATCCC  
TCACAACATAGCTCATTGATCTCCAAGGATCCTTAACCCAACAAC

>trans\_c\_10122XM\_002864424|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycosyl hydrolase family 17  
protein, mRNA

CAGCAAAATGGAGCCACTGATGTTGCTTGTGGTTTTGGAGGGAATGGAGTTAGGGTTAACCAGGACCCAAGC  
TATGATAATTGCTTGTATGCAACAGCAGGGAAGAACAAGACGATT

>trans\_c\_10123AY056434|Arabidopsis thaliana AT5g24690/MXC17\_8 mRNA, complete cds

ATGATGAGTTTGATGATGGCGACGAGGGAGATGAGGGTGGCTTGTTCCGGAGAAGGAAATTTCTTGAAGAG  
CTTTTTGATCGTAAGCCCACGAGCATGACGCCGGGTAGACAATGAG



>trans\_c\_10124AF188678|Pisum sativum P72 DEAD box protein mRNA, complete cds

AGGAGCACCATTGAAAGGACACAAACCATCAGATGCAGGAAGTGGTTTATCTGCCGACTCTTATCGTCAACGA  
CATGAAATAACTTTTTCGGGAGATTATTATTACCCCCGGCCCC

>trans\_c\_10125DQ015722|Chlamydomonas sp. CCMP 236 26S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

ACCAAGGAGTCTAACATCTATGCGAGTGTTGCGGTGTCAAACCCCTACGCGTAATGAAAGTGAACGGAGGTG  
AGAACCGCAAGGTGCATCATCGACCGATCCTGATGTCTTCGGATG

>trans\_c\_10126GU569957|Gossypium hirsutum PLDalpha isoform 1 (PLDalpha) mRNA, PLDalpha-1  
allele, complete cds, alternatively spliced

AGAAGAGCAAAGAATTTTCATATACATTGAGAATCAGTATTTCTTGGAAGCTCATTTGAATGGAGAGGTGATG  
ATGTGAAGCCTGAGGTAATTAACGCCCTGCATCTAATTCAAAG

>trans\_c\_10127GU929197|Cucumis sativus heat shock protein (Hsp45.9) mRNA, complete cds

AAATTTTCAGAGAACAAATGGAGGAAATGGATCTCTACCAACAGCAGCACACCACCAGGCAGGAGCAGT  
CATATCATATCTCATATCCAATAAAAGAGTCGCCCTAGATCTTAA

>trans\_c\_10128XM\_002892420|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein binding protein,  
mRNA

AGAGAGAAGGATGGTTATTTGTTTCAGCGGCATCTGCAGCAGGAAGTTCTAATCCAGACAGTGACTTCAACCC  
GTATGAGGTTCTAGGTGTAAACCAATTGAGGGCAGGGTGTACCA

>trans\_c\_10129XM\_002315211|Populus trichocarpa metal tolerance protein (PtrMTP11.1), mRNA

GCGGGATTTAGAGTTGAAGAGAAGAAATTACCATATTGCCTTGTTGTTCTAAGAGTGTGCCTGTGCGTGCTCC  
GGTTTATGCTTGTAATCAAGATGAACAAAGGCCCTCTC

>trans\_c\_10130Novel Gene

CAAAACGAATCCTATTTTGGCTATTACCTTCTCCATTACTATGTTCTCATACGCAGGAATACCCCCGTTAGCCGG  
TTTTTGTAGCAAATTCGCGGGTGGGGGGTTTATCCCAAAAAC

>trans\_c\_10131FJ969431|Glycine max HSP90-2 mRNA, complete cds

GTTGACGCGATTGATGAGTATGCAGTCGGTCAGTTGAAGGAGTTTGAAGGTAAGAAGCTTGTTTCAGCAACC  
AAGGAAGGTCTGAAACTTGACGAGAGTGAAGATGAGAAGAGAGGA

>trans\_c\_10132Novel Gene

TCTTCCTAGTCACAATTCTTACCTGTTTCAATAATGTAAACTTCAGGTTAGATCAATGGAAGTGAAAATTTGAT  
AAAATAGGTTTCAACAAACAAGAACAAGAACATGGGCGTTAC

>trans\_c\_10133Novel Gene

AGCCTTTCTTCGTTTGAAGATCAGAGTGTGCTAATATGGAAGTTTCAGTCACGGTTAATTCAGAAACACGGAT  
GTTATTTTGTAGATCATATCTGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATC

>trans\_c\_10134NM\_001052528|Oryza sativa Japonica Group Os02g0164900 (Os02g0164900)  
mRNA, complete cds

TTAGAAGGCGAGTTGGAAGATCCTTTGAGATCAGGCTGGCAGCTTGATTGTTGACCGGGAAGATGGTCCC  
TGCCCTAATCGGTATGGCACAGCCCTCATTGACATGACAGGCAC

>trans\_c\_10135DQ492287|Nicotiana benthamiana cathepsin B (CathB) mRNA, complete cds

CGGCGATGTAATGGGAGGGCATGCTGTGAAGCTTATTGGATGGGGAACAACAGATGATGGAGAAGATTATT  
GGCTTTTGGCGAATCAGTGGAACAGAGTAGTTGGAGAAAGACGTCG

>trans\_c\_10136DQ212730|Peperomia hoffmannii isolate 0541 trnK gene, partial sequence; and  
matK gene, complete sequence; chloroplast

CGGAAGAGATCTTTTATCTTTAATCTATTTTTAGTGAGCATGATGCCTTTTATTTCTGATTTTTTAAGGGAATAC  
TGAAAACTTCTTCATTTTTCTTTAGGGGCTCGAGGCGCGGCG

>trans\_c\_10137AB082376|Pisum sativum mRNA for elongation factor EF-2, partial cds

AGTCTCTCCATCATCTTTGCCTCATCTACTCCAACTTGGAAGCATACATCTTCGCAAAGTTAGTCAGGGTAAAT  
GCCCAACCGTGCAAACCAGCAGAGAAAGCAACTGTTCTTTC

>trans\_c\_10138AY129669|Mirabilis jalapa auxin-responsive protein IAA1 mRNA, partial cds

ATGAATGAAAGTAAGTTGATGGATCTTTTAAGTGGCTCTGATTATGTTCCAATTATGAAGACAAAGATGGTG  
ATTGGATGCTTGTTGGAGATGTTCCATGGGAGATGTTTGTTGAA

>trans\_c\_10139L36159|Medicago sativa unidentified mRNA, complete cds

GGATTTTCGAAAGTGGCCCATACGTGTTCCCCAATGCATCATCAGGAGTCTTGGTCCCACCGAATATCGAAGAT  
GACCACTCTCCGATCCCCGGCTCGATCCCCAGGCTCTCTGGAAT

>trans\_c\_10140NM\_001074576|Oryza sativa Japonica Group Os11g0543500 (Os11g0543500)  
mRNA, complete cds

ATGCGACTTGTTGTCGCTATTAGCGCAACAGTGATACCGCGAAACACATCAAGCGAAACAAGACGATGGCATT  
GGTCGGAAGATCGGAGAATAGGTCTAACCGAAGATGAAAATTGG

>trans\_c\_10141Novel Gene

AATACAGAAAAAATACAAGCCTGCGTAGCCATCATCGCCGAGTCTTTGTGAACAGAGGCTCCAGTAACAGGC  
AGTCGTCATTGCTGGAACAAAAGAAAGAGAGAAATGGGACGGACT

>trans\_c\_10142XM\_002890345|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

CTAGAATGAGGCTGAGGGTGCCGGTTATGAAGCTGGTGTGATCAGTATCTGCTTTGACATCGGCAATGCATC  
GAGCCTGGTATTTGAGGCCGTAGCCAATGCCTGATGAACCACCTT

>trans\_c\_10143AL161586|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 82

AGGTGGAGAGCTAATCCGTGTCATGGAAGCTGACGAGGATGTCGTGAACTGCATTGAGCCCCATCCTCATAT  
GACCATGCTTGCTAGTAGTGAATTGAAAGTGATGTCAAGATATG

>trans\_c\_10144NM\_001062106|Oryza sativa Japonica Group Os05g0419200 (Os05g0419200)  
mRNA, complete cds

TAATTTTAATTTAATGAGTATGTGTTCAATGAATGATTCTTTTTCTTACTTGTTCATTGTTGAATTCATT  
CTCTGATCAGTCTTCCACTCCAGAACGTCGTATTGAGCTT

>trans\_c\_10145Novel Gene

CCGGGAGCGCTAAAAAAGTGATGCTAATTTTATTCATAAACCAATAGGAGGTTAGGACTCTCAAAGCAAAG  
GACTTTCTCACAACGCTTTAAGAGATACATAGGAATCACTTCACA

>trans\_c\_10146DQ443471|Triticum monococcum subsp. aegilopoides glycogen synthase kinase  
mRNA, complete cds

TGTTGTGAAACATATCATTGGGACCACAAAGCTTGAGTTGGTGGGTGTGTGGATTAACCAGCAAGTTTGGAGG  
CTTTATGTCTCTGTGGCATACTCCAATACTATTATGAATGTATG

>trans\_c\_10147XM\_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family  
protein, mRNA

GTACGGGCAGGGTCAACCTCCCGTTCTACCCACAATCATGGGCTCCAACTCCAAATGATTCTTGTTGGAAGGG  
ATGATTGCCCCGCCCTCGAGCAACCTCTGACCTCACAACTCTGG

>trans\_c\_10148NM\_001125918|Arabidopsis thaliana binding (AT5G47690) mRNA, complete cds

ACAGGCTGATCAAAGTGAAGGTGAATCAAAAACGTGGTTGGTAGATGGAAGTGTTTTGGCTCACTTCGAGTC  
ACTCAAGTTAGAATCAACTGAGATTTCTACAGAAGCTGGTGTAGA

>trans\_c\_10149EF473701|Acrostichum danaeifolium ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

CCAGTGCTTTGGTGCAGTAAGGTGGAGGGAAAGTTAAAAGTCTTGTTTTTCTTCACATTAGTTTTTGTAGCAT  
GTTATTATTATGAACATACATATAATATAAGATTAAGCACAGC

>trans\_c\_10150NM\_001066193|Oryza sativa Japonica Group Os07g0485500 (Os07g0485500)  
mRNA, complete cds

TTCATACACATTTTTGGCTCTTCTTGAAATAGCGGGTATGATCTTCCGGCATATCTTCGTCGTTTTCTTGGATCA  
GTTGGTCTGTCTCCGTGATTACGGGTGCGTCAACTATCTTCC

>trans\_c\_10151AF043539|Spinacia oleracea ClpC protease (clpC) mRNA, chloroplast gene encoding  
chloroplast protein, complete cds

GGGCTGTAAAATGATGGCCACCGCACATTCACCTGGCTTGAGAATAAGAAATTTCTCTGGACTCAGAGGATT  
TAATTCTTTGGATAACATGTTGAGAAGTGGCCAAGATTTTCATT

>trans\_c\_10152DQ899955|Populus alba x Populus tremula glycosyltransferase GT47C mRNA,  
complete cds

ACCCACCTTTCAAATTCTAAATCTTCCCTTCGCGAGCTTTAATCGAGTCTTCGAATACCACATTCCTCCGCCAA  
GTTCAACAAAATCAAGGTTATGCAGACGACTTAAATACGCGA

>trans\_c\_10153XM\_002870388|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DENN (AEX-3) domain-containing protein, mRNA

TTCTGACTTCTTTGCAGCATACTGCCTCTGAAGTGCCTGAATATCACAATTAGGATGAAGGCCAACAACAACCA  
TGCTTTCAAAAATCCTAGTTGGCTCCTTCTGAGATCGATGGTC

>trans\_c\_10154NM\_001051698|Oryza sativa Japonica Group Os01g0911800 (Os01g0911800)  
mRNA, complete cds

CATGGAGAAAGAACGTCATGATTTTCAATCGACTATTGAGGCTCTTCAGGAAGAGAAGAAGCTGTTGCAGTCT  
AAGCTACGGAAAGCTTCAGCAAGTGGAAGTCTATCGATCGGCT

>trans\_c\_10155NM\_127816|Arabidopsis thaliana UCP5 (UNCOUPLING PROTEIN 5); binding (UCP5)  
mRNA, complete cds

CAGCTCGCATCGTACGATCAGATCAAGGAGACGATTCTGCAGAAGGGATTGATGAAGGACGGACTGGGGAC  
ACACGTGACGGCGAGTTTCGGGCGACCTAACGTGGCGGCGTGGTGT

>trans\_c\_10156NM\_001064184|Oryza sativa Japonica Group Os06g0480000 (Os06g0480000)  
mRNA, complete cds

CAAGGCTCTTAAACTGCTGCTTTGAGGCTTAATATTTTATCATCCAAGGAATTGCTGTACGAGAGACGATCAA  
TCAGGAAATTATTAGATGATGTTGGTCATGACGATCCCGCGAA

>trans\_c\_10157Novel Gene

AATAGGTAAATAGAAGATTCAAGAGGCCCTTTACTAGTTATATTGATACTTACTCGGCTGAACTATAAACCCG  
TAATATTGATGTTTCTTCTGAAAAGCCTTGCCCAAGAACTAA

>trans\_c\_10158NM\_111144|Arabidopsis thaliana ATP binding / aminoacyl-tRNA ligase/ histidine-  
tRNA ligase/ nucleotide binding (AT3G02760) mRNA, complete cds

GAGGCGTCTAAAGCTGATGTGTCTGCGTTCAGTTTGATGGACTCGGGTGATGGGTTCGCCTCGAAGGAGGAG  
GTAGGAGTCGCCAATAGCGCAGGAATACTTCTAAATGGATAGCCT

>trans\_c\_10159XM\_002889328|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tetratricopeptide repeat-containing protein, mRNA

CGACTGAAAGAATCAGAAACCGGTCTTCACAAAAAGTCACCAGAGGAGTTGATTGATATGGCTCATAATTATT  
ATGCTGATATTGCCCTTCCAAAAGTGGTTGCAGACTTTGTCGAA

>trans\_c\_10160NM\_101128|Arabidopsis thaliana glucose-methanol-choline (GMC) oxidoreductase family protein (AT1G12570) mRNA, complete cds

ACGTGAGAAAGCGCCCAACCAACCTGTCGTTCTCTCAAGAAGTAGGACTGAGAAATTGGATGATAATGTTGC  
AGCTAATGGACACCCTGCTGTTCTCCCCCTATTATTATGTAGT

>trans\_c\_10161XM\_002882025|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase family protein, mRNA

TGACAAGAATGGCTTTGCTGGCGTTCCTCCTACAGCATTAGTGAAGTGCCTTCATGATGGGTTCAACCATCCTA  
GTGATAAGTCAGTTAAAATTGGCTCCTTGCAGATGTTTCATGGA

>trans\_c\_10162NM\_100523|Arabidopsis thaliana FTSH8; ATP-dependent peptidase/ ATPase/  
metallopeptidase/ zinc ion binding (FTSH8) mRNA, complete cds

AAAGGTGTTCTCCTTGTTGGTCCTCCTGGAAGTGGGAAAACCTTTGCTAGCCAAGGCCATTGCTGGTGAAGCAG  
GTGTCCCATTTTTCTCTCTGGGCACACAGAGCGAGAGAGGTCTA

>trans\_c\_10163AM777385|Lolium perenne complete chloroplast genome

AGGAAATGATCTTTACATGGAATACTTTCTTAGGCCTCATTAATTACTTCTTTTATAACGTCTTAGTTTTACCG  
AGATCAGATGCCAGTCTACTTACTTGGCGGCCCTCGAGCATA

>trans\_c\_10164NM\_126439|Arabidopsis thaliana CR88; ATP binding (CR88) mRNA, complete cds

GGGGTATACCTTGTCACAGCTGTGTTGCTTAATCCAGTCACAAAGGACTTGAAATCTTGCTTAGTTTCTCTTT  
CTTGAACCTTCATCCTCATCGCCAGCTCTAAATCTTCCTTGCT

>trans\_c\_10165HQ457166|Brassica napus x Brassica rapa isolate Transposon18 non-autonomous  
Helitron-type transposon, partial sequence

GACACACACCTCAGGTTTATTTATACTTTTACTTTATTTTTCTAGGTGACAAGATTATTCATCCTTATCGAATTT  
GAATATCAGAATAGTGGATATAGTCATGATTCAACGGGTTA

>trans\_c\_10166AY335818|Gossypium hirsutum beta-D-glucosidase mRNA, complete cds

GCCCAATTTTTTTTTTCTTCCAAAGTCATCCGACCCATAAGATCCTTGATTCTAGCACCCAATGGCTGTTTGGGG  
TCTTTGTATTTCAGTAAGTTGCATCTGTAGCAACAACCAAA

>trans\_c\_10167AY968569|Gurania tubulosa tRNA-Leu (trnL) gene, partial sequence; plastid

AATGAACGAATTGTTATGAATCGATTCCAAGATCTACAAGTTGAAAAAATAATCGAATATTCATTGATCAAATC  
ATTTACTCCATCATAGTCTATGAGTAGGAGGGCGCGGCGACTA

>trans\_c\_10168XM\_001779260|Physcomitrella patens subsp. patens DNA helicase, TBP-interacting  
protein (RUVBL1503) mRNA, complete cds

TCAAGTTTCTTCTCCCGAGGTTCTTCAGCGTTCTATTTGACACAAGATCCTCACAACTTCACATCAACGAAGA  
GGCGGGTTGCTTGTGTTAGAGACTCGCTGTGCGGCGGAGAG

>trans\_c\_10169EU161365|Adiantum capillus-veneris 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AAAGGCTAGGACGGGTGATAGGCCGTCAAGAAGAAAAGAGAACTCTTCCAGGACCCCCGCCGACGTCTCCG  
CGTTCAGTTACGTTACCGTGGAGAATCCACATCCAGGTGCCGGAA

>trans\_c\_10170Novel Gene

AATGGTCTTCATTCAAGATTAGAGGTCAATCCAGCGTTTTTCTCACTGTGAGTGTTCCATTTTCTTAACTACCAT  
GGATGAGTCAATAACTTTGTAATACTTGAGAGTTGGATTC

>trans\_c\_10171XM\_002892539|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADP-ribosylation factor, mRNA

GGAAGGGCTTTATGAGGGATTAGATTGGCTTTCAAACAACATTGCTAACAAGGCATAAGGATATCGAACAGT  
TTGCTTCTGAGACTCGCAGAAGACTCGTACTTTGTCCGCGGCGAG

>trans\_c\_10172Novel Gene

TAGTAATTATCTTGCAGGGGCGGCGACAGGGGTCTGGCTTAACCAGCTCCCTGAGTCCGCTTCAAGACAGGA  
TAACTAGTGACCCAATCTTGGGGCTCTCTTGCCTATATCCCCC

>trans\_c\_10173XM\_002326412|Populus trichocarpa heavy metal ATPase, mRNA

AAAGAGTAATATGTCCTCACATTCCTTTAATCTACTCATTGTTACTCTGGCGCTGTGGGCCCTTCCTCATGGATG  
ATTGGTTAAAGTGGGCATTGGTGACTGTTGTGCACGGGTGAC

>trans\_c\_10174NM\_001055522|Oryza sativa Japonica Group Os03g0151800 (Os03g0151800)  
mRNA, complete cds

CCAAGAAGAGGTCCAGGCTCTCGGCTGCCTCAAAGCCATCCGTTGCCGCTTAGTTTGTTCGCATTATTATTTAT  
GTCTCAGCGTTTCTGTTATCTTTATATTTTCAAAAACACGCTC

>trans\_c\_10175GU171779|Ipomoea batatas microsatellite Stv\_lpb\_842 sequence

TTTGAGTTCAAATCCATTTGCTGCTCTCTTGGCAAACCAAGGAGGTGCACAAGCGAGGAATGAGTCCAATAAT  
TCTTCAACTACAGGATCAGAAACAACAGGAAATGCTGCTCCTAA

>trans\_c\_10176AF073744|Cucumis sativus raffinose synthase (Rfs) mRNA, complete cds

AGGAGGCGATGAAGATCGTGAGGACCCATCTTGGAACCTTTTCGCTTGTTGGAGGAGAAGACTCCACCAAAAG  
TCGTGCGCCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGTGCACTG

>trans\_c\_10177AL161498|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 10

TCCCAGCTTTCACTTGACAGAGTGAGGTCGTCAGCAGCGATGTCGATGATAGCTGAAAGAAAAGATGAAAGC  
ACCCCATTTGTGAGTTGGGGAATTGCAGATAGAGGAGAAAAGAAG

>trans\_c\_10178BT025782|Arabidopsis thaliana At1g51100 mRNA, complete cds

GGTTAATGTTATATAACTCAAAAAGAATTAGCAACAAGTATAGCTTGCTACACCTTGCTTTAGCCTGACCAAG  
GCGTTCGCTCAATGTCTCATCCTTCACAGCCGCTTCACCATA

>trans\_c\_10179XM\_002881011|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-7 chain (TUB7), mRNA

AGAACTCTCCTAGTTTGTGTTTGTGACAATGAAGCCAGTTGTGGTAGGTATGTACCTCGTGCCGTTCTTATGGAT  
CTTGAGCCTGGTACTATGGATAGTATCTGATCTGATTGTGCGG

>trans\_c\_10180GU814015|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-2290 NIC7m (NIC7m), SPS1m  
(SPS1m), SPP1Cm (SPP1Cm), EIF5Bbm (EIF5Bbm), PTC1m (PTC1m), 182394m (182394m), 97782m  
(97782m), RFC4m (RFC4m), 182392m (182392m), ALB3m (ALB3m), PSF2m (PSF2m), 182390m  
(182390m), 182389m (182389m), 294687m (294687m), HDH1m (HDH1m), TOC34m (TOC34m),  
522875m (522875m), LPS1m (LPS1m), PDK1m (PDK1m), CGL70m (CGL70m), NMDA1m (NMDA1m),  
DRG1m (DRG1m), OTU2m (OTU2m), 155027m (155027m), MTP0618m (MTP0618m), PR46bm  
(PR46bm), PR46am (PR46am), GCSHm (GCSHm), UBCH1m (UBCH1m), MADS2m (MADS2m), PKY1m

(PKY1m), MIDm (MIDm), DLA3m (DLA3m), 522872m (522872m), MTD1m (MTD1m), LEU1Sm (LEU1Sm), SPL2m (SPL2m), HGRP1m (HGRP1m), UTP1m (UTP1m), MTP0796m (MTP0796m), and MT0828m (MT0828m) genes, complete cds

CCCTTCCTGGGACTCAGGACGGAGGAAACACCTCCTTGACGTACACAACCAAAGACCAAGAGATCCACTACGC  
CTTGCCGTACAGCAGCCCTCCGTGTGAGACACAGACACACAAT

>trans\_c\_10181Novel Gene

CTATGGATGGGGCGCCATTCTAATCAATGCGCGGGGGCTCCCAAGTTTGCCTTCGGAAATCGTAGTGAAAAG  
CAGATTGCCGAGCCAAGATCCGAATAACTGGTTCGGCAAAATTTA

>trans\_c\_10182NM\_100521|Arabidopsis thaliana ATTPS7; alpha,alpha-trehalose-phosphate  
synthase (UDP-forming)/ transferase, transferring glycosyl groups / trehalose-phosphat> (ATTPS7)  
mRNA, complete cds

TAAACCCAGATGACGACTTTGTATGGATTCATGATTATCATCTAATGGTGCTACCCTCCTTCTTGAGGAGAAGG  
TTTACAAGACTGAGAATGGGCTTTTTTCTTCACAGTCCATTTT

>trans\_c\_10183NM\_116180|Arabidopsis thaliana MIRO2 (MIRO-RELATED GTP-ASE 2); GTPase/  
calcium ion binding (MIRO2) mRNA, complete cds

ATCGATCACGAGGACGCAAGGCACCATCACCATCGCCATCATAGAGCTCAAATATTCCCCTTAGAAACTCGAG  
GGCTTCATTTGTCAGCTCCACACTCTGATCTGGAGCTCTCTTT

>trans\_c\_10184X82776|P.sativum mRNA for ribosomal protein L1

TGGAATTTGATAAGTTGATTGCTTCACCAGATATGATGCCCAAGGTTGCAAGTCTAGGGAACTTCTAGGACC  
TCGAGAGTCAGCATTCTTAGGTTTTTCGACCGTGTCAATGTGTG

>trans\_c\_10185Novel Gene

GAATCAAAATCCAATCTCTCTCAAGGAAGGGAAGGATCGAGAGAAAACAGAGAGAGAAAAAGGAAAAAGAG  
GAGGGGGGGAAGGGAGCGGCGCAGAATGAAATTGCCGGCTCGCAG

>trans\_c\_10186AJ006378|Lycopersicon esculentum sbt1 gene

AGTGGAAGCCTTTGCCGAATTCTTTACTACCAATTGTATCTGCAGCCAGTGCGAGTAATTCATCCAGCGGTAG  
TCTTTGCTTGAGCGGTACTCTGAATCCGGCGAAGGTCGCGGG

>trans\_c\_10187HM768296|Ananas comosus glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase mRNA,  
complete cds

CGTGGATAGAAGAGTTCTTCCTGATACAAAACTGTAACAGCCTGCTCACCAAAGAGAAGAGTCTTAGAGTC  
CTTAACCTTCACGTCTTGATGCTTCCATTGGCCATGAACACTG

>trans\_c\_10188NM\_001125213|Arabidopsis thaliana HGL1 (heteroglycan glucosidase 1); hydrolase,  
hydrolyzing O-glycosyl compounds (HGL1) mRNA, complete cds

GGAAGGAACCACAAAAGATACTACTATCTCTGGGAATATGATTTTTGAGCCTATACTGGAAGATGGTGTTTTT  
CGATTTGATTGTTCTGCAAATGATAGAGCTGCGGCTATAGGAG

>trans\_c\_10189XM\_002892492|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutamyl-tRNA reductase, mRNA

CTTCTTTAACCCACGATGCTGAGACAACGCTACAACATAAATCTCAATCCGATTACAAGTGCTAAGAACGGCC  
GCTTCTTCTATATGGTTCAGAGCACAGAGTTCAGCAATGGCC

>trans\_c\_10190NM\_124470|Arabidopsis thaliana basic helix-loop-helix (bHLH) family protein  
(AT5G50915) mRNA, complete cds

ACGACTCTCGGCAATTCAGTAATGGGGACCTTCCAATCCTCCCAGACCATGGCTCTTCTTCTCCTCTTCAT  
TGCTTTATCAACCGCTACCCATAACCAGTTCCTTCGAAAA

>trans\_c\_10191XM\_002893541|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycyl-tRNA synthetase, mRNA

CGTCAGCATTTTGTCTTGAGGAGAATATGTTGGAAGTTGATTGTCCTTGCGTTACACCAGAAGTTGCCTGAA  
AGCGTCTGGTCATGTAGATAAGTTCACAGACCTTATGGTTAA

>trans\_c\_10192AL161590|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 86

TATATGTTGCTTTCAAATTTAACTTTGAGGTTTGATCGGATGAAACAGCCTTGAAGTTCTGGTGGAGAAGAG  
TGTATCTGGATTTCTGTAGTTGATGACGACTGGAACTGGTT

>trans\_c\_10193NM\_201964|Arabidopsis thaliana oxidoreductase family protein (AT2G45630)  
mRNA, complete cds

AGGGACTCGCCAGGCTCCACATCTTTCCTTAGAATTAATTTTATATTTCAAACGCGATCTTTTTAATTGGATT  
TTGTTGTTTCATGCTCCATCTCTGTAGGCTCAATTCAATTC

>trans\_c\_10194XM\_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

AGGTCAGGATGGCGAGCGAGAAGATGATGCAGATAGAAACGGAGCTCGTGCTGTAAGAAGACCTCCAGGAC  
AAGCTAACAGAAATTTTGCTGGTGACGCTAATGGTGAAGATGCGG

>trans\_c\_10195AB514145|Citrus x paradisi chloroplast gene for ribosomal protein L16, partial cds

TATGGGTACGTATATTTCCGGACAAACCCGTTACACTAAGACCCACAGAAACACGTATGGGTTTCAGGGAAAG  
GATCCCCCGAAATAACCCATCCTGTTGTAAACCAGGTAGAATA

>trans\_c\_10196NM\_001070510|Oryza sativa Japonica Group Os09g0569100 (Os09g0569100)  
mRNA, complete cds

CACGTTAAGAATCATATCAATAAATTATGTACATTTAGCCATTGTCACCAGAAAGTATCATCAACTGCTGTGGT  
GGTTGATGGAGATTCATCATCTTCCTCCATCCATCTCCGGCT

>trans\_c\_10197XM\_001698752|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TATTTAAAAGCCTAATCCAATTCTGTTTTATTTCAGGAGCGGAGCGCCGACGAGGGAAGCGCCTGGGCCTTCTT  
CTTCCAACTCCCCAGTCTCCTTCTTTGGTGGAAATGTTGTA

>trans\_c\_10198AY220483|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 276 (ACRE276)  
mRNA, complete cds



ATCTGGCTACTCACTCAAAACCAATCCATCGCTAACAATTTCCACGAACTCACTTTGGATTATCCACTCTGCTC  
GATATCTTCCCTGTAAAGACGCTGGTTTAACCGAAGACGT

>trans\_c\_10199NM\_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,  
complete cds

AAGATTAGAATGACTCAGGAAGCATTTCAGCAACACAAAGGATGGAGTTTGAATCTGCAGAATGAACAGACG  
AAGAGGGAGGTCATCACGATTCCTCCGAAACCAGCAGTAGGTG

>trans\_c\_10200XM\_002871173|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATUBA2, mRNA

CAAGAGACCCACCTGAGAAACAAGCCCCATGTGTACTGTGCATTTCATTCCACACAACATCGATCACTGTTTG  
ACTTGGGCTCGATCTGAGTTGTCAAAGCCATCAAGAGGAGTG

>trans\_c\_10201FJ586231|Solanum lycopersicum plastidial early light inducible protein gene,  
promoter and 5' UTR

GCGCATCTAGTGTAGTGGTATCATAGTACCCTCCACGGTACTGACCGGGGTTTCGTTTCCCCGGATGCGCACC  
ACGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGTGCAGAAGT

>trans\_c\_10202Novel Gene

CGTTTGATTTCAGCAAGGAGCATGTCAGAGCACTACATTTAACACAGAAATTGCTGTTTCGTCCTCCAGCAAGC  
TGCTGTTGAACCCACAAATTAAATCCCGTGAAGCGCAGGGCCA

>trans\_c\_10203Novel Gene

CGGGTGAGCAGAATCCCTCTGTTCTTCACATGAACCTTCAGACACGTGTTTCAACTTAGAACTCAACCCATCTC  
TCTGTTTCTGAGAAGGCGCAGCTGCAGAAGGTAACGTTGCTT

>trans\_c\_10204AF152172|Solanum tuberosum cultivar Desiree pectin methyl esterase (Pest2)  
mRNA, complete cds

CGATTGGTGCAGTGGGGGATAATTATAGAAGGGTGAAGAAATTGCTTAAGACAGAGAATAGTCTGACGAAA  
CGAGAGAAGATTGCACTTCATGACTGTTTGGAAACAGGGCGCCTT

>trans\_c\_10205EU350583|Manihot esculenta beta-cyanoalanine synthase mRNA, complete cds

CCTTCTTATAAAGCTTGGAGAGGAGAGTTACAATGAGAGCATTGGAGCTGAGTTGATTTTAACGGATCCAA  
CTAAAGGCATGGGAGGGCAGTGACTTTCCGAACGTCGAGGGG

>trans\_c\_10206XM\_002880160|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

CGTGCAGGCCGAACAGCTCGCTCGATTGGCATTGAGGTGTTGTGATATGAAGCGAAAGAGCCGCCCCGATCT  
CATTACTGATGTCTGGAGGGTGCTTGGACCAGCAGACCGAAGCT

>trans\_c\_10207NM\_113701|Arabidopsis thaliana RPL12-C (ribosomal protein l12-c); structural  
constituent of ribosome (RPL12-C) mRNA, complete cds

TTCAATCCATTAACGCCCAAAATTCGAGAGATTCAAGCCCCAACAACTTGCCGATAACGGAGTAGCACTTGGC  
ATCAACTATAACAACAATACACGCATCTCCAATTCCCATTTC

>trans\_c\_10208XM\_001701138|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GTACCTAGTGCTCGAGTGGGATGTCTCAATGACACACTTCTCATACTTTGCATAGTCCGATATGAACTTCCTGA  
TGACACATTCCAGTTGGGAGAGGTTACTGTTAATGTTTTCTG

>trans\_c\_10209CP001333|Micromonas sp. RCC299 chromosome 15, complete sequence

CGTCTCTCATATGGGTTTCATACGGCGCTTCCGGTTGGAGCGCCTATCGCATTTTCAGTCCGTTCTAGCGGGGCA  
CCCGCCGAGAGACGTTTCGGGCGGTTATAGTATGAAAAAAAAA

>trans\_c\_10210Novel Gene

TCGCGTCAAACATAGAGGGATATAGCGCCATAAATAAAATCAAACCTCAACACATCTGAGAAATCCAGCCGCAA  
TGTTTTCACTAACCTCCTCGACGTAAACAGAAGGCATTATCT

>trans\_c\_10211Novel Gene

GGACAAGCAACGCTTGCCATTTAGACACAACATAACTCAAAATGGGAGTCATTTTATCAGCCACTTCGATGAA  
AGAATCGTATGTCCACAAAAAGAATCCAAAACCAAAATATTC

>trans\_c\_10212DQ792722|Glycine max transcription factor bZIP54 (bZIP54) mRNA, partial cds

AGAGACAATTTGATGACTGGCATTACAAATACCAGCAGCGGAGAATGCCAGATGAGTTGGACCCCGAGAAGT  
CTGAAGAAAACCTCACAGGACGCCGAGTTACGGAGAGGTTTCAA

>trans\_c\_10213AL161493|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 5

CCGCGGTCCGTTCTTATTAGCTTTCTTTTCACAATGTAGATGTATCAAAGATGGAAGAGGTCCGAAGGTTATGA  
AATAACGAGACTGAAAGGTGCGAAGCAGCTCGACTAAGAAGG

>trans\_c\_10214X91795|C.reinhardtii mRNA for ubiquinol-cytochrome c oxidoreductase

TGCAGCAATTAATAATAGTTCTGATGGCACCGGCAGTGGTCCTGCTGTAATTGAATCTCTGCAAGGAACACAG  
GTGACCCAACAATCGCAAGCTGTTGACATGCACGGGTCCACGC

>trans\_c\_10215Novel Gene

TGAGCAACACAGTAGGTTTCAGGGGTGAAACACATAATACATCAGTTGCTAACTCGTCATACTCTTCGGGTTTA  
AAACGAATTCCTGCTGATGAGCCATTGCTGAACTTTGGCAGGG

>trans\_c\_10216AY641410|Hordeum vulgare subsp. vulgare retrotransposons Sandra3 and Sandra4,  
complete sequence

ATCTGTACGCTTGGAAGTGCTTTCCAACAAGAACCTGCCGTTGTATCCTCTGATAATCTCACTTTCCATGGTTCT  
TTTATCAAGCCTATTTCAGGAAGTAGGAGGAACCGAAGATGG

>trans\_c\_10217AY242527|Arabidopsis thaliana 26S proteasome subunit RPN2b (RPN2b) mRNA,  
partial cds

AGAGTGTAGAGGTTATACAGCATGGTGCTTGCTTGGGTCTGGGTTTGGCAACTCTAGGGACTGCTGATGAAG  
AGATTTATGATGACATCAAGAGTGTAATAACACATCACTATTG

>trans\_c\_10218NM\_101642|Arabidopsis thaliana DNA-binding bromodomain-containing protein (AT1G17790) mRNA, complete cds

GGATGGGCCTTCACGATTACTATGACATCGTCAAGCGTCCTATGGATTGGGATCTGTGAAAGTCAAGTTAGG  
TAAAGATGCGTATGAATCACCGTACGATTTTGCTTCCGACACA

>trans\_c\_10219AB205601|Aristolochia praevenosa chloroplast rbcL gene for ribulose-1,5-  
biphosphate carboxylase/oxygenase, partial cds

AGCAGCAGCAACAGCAACAGCAACAACAAGCTCAAGAATGCCTATTAGAAATGGAAGTCATCAAAGCAG  
CCACAAAAACACAATCCAAACCATTGAAAACCGAACGAATCACC

>trans\_c\_10220AY173935|Cucumis sativus ribosomal protein L20 (rpL20) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

GGGGGTTATACAGTAGATCTGTAGAGATTGTGTATGAATCTACTATAACTGTAGTCTACCTTATTAGATCGAAT  
TACTGCATTTATTTCGAGCGATCCGCCTTGCCGTACAGCATA

>trans\_c\_10221Novel Gene

GTTACTTCTTCTAATTCTTCTTTCTTTCTCAATTCTAGGATTCCTTCAAAAAAGATAATTTCTTTCGTTTGC  
CTTGCAACTCTCATCTTGTAGAACTGGTAATCCCCTTC

>trans\_c\_10222NM\_001064894|Oryza sativa Japonica Group Os06g0677700 (Os06g0677700)  
mRNA, complete cds

AAAGAGGGGGGAGTCTCAAGAGAGATTTCAAGTGTGCAGTGAGGAGTAATAGGTAGCCATACCATACTTCAC  
TCGGCCCAAGCAATGCCCATCCCATGCCTTCTCTGGGGTTCAAC

>trans\_c\_10223AL161548|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 48

CAAGGTCTCAGACCCAGTTCAGTAATGTAAATAGTTGTACAGAGAGCATAAGCATGGAGTCTCAGCCCAAATC  
TGTAATAATCATCATAAAAGTGTAAAGATCTTGTCTTTAGTG

>trans\_c\_10224NM\_114541|Arabidopsis thaliana TOC75-III (TRANSLOCON AT THE OUTER  
ENVELOPE MEMBRANE OF CHLOROPLASTS 75-III); P-P-bond-hydrolysis-driven protein  
transmembrane> (TOC75-III) mRNA, complete cds

AATACCAAGGAGGTTGTTTGTGAGGTGGTGGGAAGGGGACATAACTCAGTTGGTGATTTCAGTTCCAAGATAAG  
CTTGTAATTAACAACTCCCTTTATGAGTTGAGGGACACCACTC

>trans\_c\_10225AY438596|Solanum chacoense triose phosphate isomerase cytosolic isoform mRNA,  
complete cds

AGGCTCAAGAAGTCCATGCTGAACTGAGGAAATGGTTTCAGACCAATGTTAGTGCTGAAGTTGCTGAATCTGT  
TAGAATTATATATGGAGGTTCCGTAAACAACATGGCATGCAAA

>trans\_c\_10226FJ909891|Zea mays subsp. mays Mu transposon insertion Mu1007582 flanking  
sequence

CAGTTGGTCTAGATGATTGCCCAGTTTTGCAAGAGATTGAGATCAAAGTGGAGGGAGACTGTCGGGGAAGGC  
ACAAACCAATGGATAACATTTGGGTAAAGCATCCTTGGGCAATAT

>trans\_c\_10227Novel Gene

TCAGGCCGAGTCGAGAGACCGAGTGTCAGTGGGGTGTGGCAGGGCAGCAGCAGCAGCAGAGGTCGCG  
AGTGGCAGGGGCGGCAGAGAAGAATACTAGCTAAATCGCTAGCACT

>trans\_c\_10228BT015028|Arabidopsis thaliana At1g43190 mRNA, complete cds

AGCTAACTACAGCAGATCAGAATGCTCAAGGACGAGGAGATGAGCCAAATCGAATACTCTTAGTCACAATCC  
ATCACATGCTATATCCCATCGGACACCTTCACGACACGAGTTGC

>trans\_c\_10229EF628205|Cucumis melo cultivar LT-4 aminotransferase 2 mRNA, complete cds

AGGGGGGACCGCGTTTTGGCGCCAATTCCGGTGGGAAGGGAAAGAGCTTTTTGAGAGCCAGTTAAAGCCAC  
ATCTACTCCCAATCATCCATACGAAAATCAAGAGCACATATCGA

>trans\_c\_10230AY935269|Antirrhinum majus plena (PLE) gene, complete sequence

GGAAAAAAGGACCCACCTGGTCACTATGGATGAGGTTAAACGGTTGTGTAGGTTTATATGGTTGTGAGGGAA  
AAGAGACTCGATGTTGTTTTGCCCGGCGCAGTGTGCTGTGAGAT

>trans\_c\_10231AF417302|Castanea sativa 26S proteasome regulatory subunit S12 isolog-like  
protein mRNA, partial cds

ATACACGAATTTTATTCAAGAGAAGTTGCAAACCTATTACCTTACTGTTGATACTGGGTTTAAGAATGGTGA  
AGGGACGATAAAAGCATATATCTCTGTGACCCAGAAAGTTT

>trans\_c\_10232Novel Gene

AGACTCAAATCTTCCTTCCTTTCTTAGTCGAGCTGCTTATCGCGCCTTGCTCTCGGTAATTTAGAAGGCACTGCC  
TGTGTGTGTGATCACAGATTAGCTGTATCCTCTACGTCAGC

>trans\_c\_10233EF408255|Gossypium hirsutum UGT protein (UGT1) mRNA, complete cds

CGAAACGGCTTCTCTATAACCATGCTCACACATCCTTCAATTCCTAAACCCTAATCGTCATCCGGACTTCACG  
TTCATCTGCCTCGATGACCGCTACCTGATGACCTCGTCGC

>trans\_c\_10234U12735|Glycine max aminoalcoholphosphotransferase (AAPT1) mRNA, complete  
cds

TTCGTGCTTGCTTCCCATCAACAGCATCAAAAGTCTGATAAAGAAACAGAAGCAATCCATGTGCAAAATGAAC  
CCACCTTGGGGGAGCTGAATCCAATTGGGGAGAATATATATAA

>trans\_c\_10235AF035944|Fragaria x ananassa calcium-dependent protein kinase (MAX17) mRNA,  
complete cds

CGGGAGGTTTCAGATTATGAGACATTTGCCGAAGCATCAGAACATTGTGAGTTTGAAGGATACGTTTGAAGAC  
GATAACGCTGTTCAATTTGGTTATGGAGCTTTGCGAAGGGGGTGA

>trans\_c\_10236U86762|Triticum aestivum gamma-type tonoplast intrinsic protein mRNA, complete cds

TCACATTAAACCACAAATCCCAATCGGAAAAAGCAGATTCAGAGAATCAACGGCAATGGAGAATGACAGAA  
GGCCTGGAAGGAGCGACGCTCGCCCGCTTGCAAGAGAGAGGGAG

>trans\_c\_10237NM\_100436|Arabidopsis thaliana CALS1 (CALLOSE SYNTHASE 1); 1,3-beta-glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (CALS1) mRNA, complete cds

CTCGGCTCTATGTTGGAAGGGGAATGCACGAAAGCTCATTGTCACTCTTGCACTACACTTTTTTCTGGATTCTT  
CTGATTATGTCAAAGTTAATATTCAGCTACTACTCCAGAGCT

>trans\_c\_10238EU188918|Vitis riparia cryptochrome 1 (CRY1) gene, complete cds

AGATACATGAGTTTCAACCATCCGTACAGTCATGAAAGACCTCTTCTTGGGCATCTTAAATTCTTCCCCTGGGTT  
GTGGATGAAGGCTATGGGCCCCGGACCTCCGGGAAAAGGAC

>trans\_c\_10239XM\_001701805|Chlamydomonas reinhardtii flagellar associated protein (FAP51) mRNA, complete cds

TAAATCTTGATAGAACACTTAACACTGTGACTTTGACCCCACTAAGGGATATGCTTCATTTAAATACAAAACAC  
CGGAGTTCACCTCTCAATGTATTATCTCCCATCCTTTGGTTTG

>trans\_c\_10240J04121|Coptis japonica triosphosphate isomerase mRNA, complete cds

GAAGTTAGTGCTGAGATGCTTGTCATTTGGGAATTCCTTGGGTTATTCTTGGGCATTCTGAAAGAAGACTTAT  
TTTGAACGAGTCGAGTGCGAAATAGTTCTCGTTCTGGTAGCG

>trans\_c\_10241EU157911|Vitis vinifera Myc2 bHLH splice variant mRNA, complete cds, alternatively spliced

GATGGGCTGCGGAGTGTTGGTGGGAAGGATGAGGATAAGACTGTGGTTGCTGCTGTTTTGGGGACACGGGC  
TTTTAATTACTTGATGTCTTGCTCTGGGGATCCGTCTTATCTGTA

>trans\_c\_10242XM\_002326701|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family, ABC transporter family, mRNA

CATGCTATTTTGAGGAACGAGATAGGATGGTTTGATGATATGAACAACACAAGTGCTATGCTTTCATCGCGTT  
TAGAAACTGATGCAACGGGCGCGGCTTGATCGGGTGAGACGC

>trans\_c\_10243NM\_121001|Arabidopsis thaliana SCPL19; serine-type carboxypeptidase/ sinapoyltransferase (SCPL19) mRNA, complete cds

GAATGGGTGCGATTCTCTAAATTATTCAATTGTTGATGATTGGAGACCTTGGTTTATTTAGATGATCAAGTACT  
CGGCTACACAATGACATATGCAAATAACATGGTGCCACACCA

>trans\_c\_10244NM\_122861|Arabidopsis thaliana GDSL-motif lipase/hydrolase family protein (AT5G33370) mRNA, complete cds

TGTTAATACTCAAATGATGCATATGGATTTCGTCTCTAATCCTCAAGCCTATGGGTTTATAACATCAAAGGTGG  
CATGTTGTGGACAAGGGCCATTCAATGGGATAGGGCCACCGT

>trans\_c\_10245Novel Gene

TCCCTTCTCACCAGGTAGTTATAGTTTTCTTTCTTGGATCTCTCTGTTTCGATCTATATGTGTTTTGTTGTTAAT  
GTTTGTACGTGTTTAGTCGTGTGGCGTATTATTATT

>trans\_c\_10246AY098892|Citrus hybrid cultivar starch phosphorylase type L mRNA, partial cds

TTATCAACAGAATCAGCTTCTTTGGAACTTTTAAGTACTTCAGTCGATGCAATGGTTGAGCTTCTTCAGGTGA  
AATAAATAAATCGGAATAGGCAGCTGGCAGATCAACATTTTC

>trans\_c\_10247FJ807473|Populus trichocarpa peroxidase (PO1) mRNA, complete cds

GGCTGTACCCACAAGTAGACCCTGTGCTGAACCCTGGCCATGTAGAGCACATGTTGTACAAGTGCCTGATGA  
AATCCCAGACCCCAAAATCACGTGACGTGTGAGTCCACTACGT

>trans\_c\_10248Novel Gene

CTTGACAGAGAAGACTGTAAATGAGTTGAAATCACAACCTGGCTTCTGAAGAACAAAGGCTACAGTCTCAGATC  
GCTTCGGCCACAAGGAGTGGTGGTACTTCTGGCAGAGTGCGTTG

>trans\_c\_10249AY354208|Cucumis melo Hemed aminotransferase 1 mRNA, complete cds

CTTATCAAGTAGGAACCGAACTTTAGACAGGTCATTAGTGACACCAGTAGCTGTCTCATTGTGGACAATGCAA  
ATTGCCTTGATGGTGTGGCCGCCATCGGTGGCAAGCTTTGATT

>trans\_c\_10250AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

CCTTGCCACTCGGCAAGCGAAGTGCGAACTCCTCTAAACCTTTGGTATAGGTTCAAATCCTATTGGACGCACCA  
CGCCTTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGTGCAATTCA

>trans\_c\_10251D79217|Cucumis sativus CR20 gene for noncoding RNA

TCCTCGCTGCTGTGTGTTTTCTTCTCGTTCTCTTACTCTCAGTTCGTCTATCTTCAACCGCCATCAACTGCTTCT  
TGGATTTCTCTGATTTGCGCGCCGCCGATTAGATACCC

>trans\_c\_10252NM\_120602|Arabidopsis thaliana ABC1 family protein (AT5G05200) mRNA,  
complete cds

AGGAGATATTTGGAAGACATGGGACTCACGAGGCAGGCTACAGCTCCGAAGGTATATCACCAGTGCAGTACT  
AGACGAGTGTTAACTATGCAAAGGCTATATGGTGTTCCTCTCAC

>trans\_c\_10253AB306568|Nitella axillaris NaRLK3 mRNA for receptor-like kinase, complete cds

AGAACGAGGTGGTGGCCGAGGGTATGACTTCGACTCACGAGATAGGTATGATTCTGGATACAATCGTGGTTCG  
CAGTCGGAGTCTCTCTCTGCAGACATGAACTCTGTGTGTGGTC

>trans\_c\_10254NM\_117266|Arabidopsis thaliana PGRL1B (PGR5-Like B) (PGRL1B) mRNA, complete  
cds

ACTGGATTTGAGATTACATACTTGTGGAGCTTCCAGAGCCATTTCAGTTTCATCTTCACTTGGTTTGCTGCTGTA  
CCATTTCTGTCTGGTTAGCGCTCACCTGTGTTGTGTGT

>trans\_c\_10255AB442176|Capsicum chinense PIH12 pseudogene for disease resistance protein

AATGTGCAGAGAATCATCAGCGCCCGTTTACATATTTCTCTTTTGTGTCAGGAAATGGCCATGGATGTACA  
TAAACCTCTAACATGTTTTGTGTTGGTTACATGTCTAAAAAC

>trans\_c\_10256CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

TGTTGAGTTACGCGTCCGTACGGGGGTAGGCGGGTCTGACCCTGGAGGGCGGCTCTCCTCGTAGGAGTGCC  
AGTTGGCAGGATAAGGATTTCCCCAGGGAGGATCGGGGTCCCCA

>trans\_c\_10257AF515632|Gossypium hirsutum Na/H antiporter (NHX1) mRNA, complete cds

GCGAGAAAATTACCTTCGGGAACAAGTTATCATTTGGTGGGCTGGTCTCATGAGAGGGGCTGTCTCTATTGC  
TTTAGCTTATCATCAGTTCACTAGAGCTGGGCACACTCACAGA

>trans\_c\_10258AY994633|Costus mosaicus voucher C.D. Specht 02-330 (NY) tRNA-Lys (trnK) and  
maturase K-like genes, partial sequence; chloroplast

TTCTTAATTTTGGGTTTGTGAAAATAACTTAAATACGAAATATTACGATCAGGGAAGATATTATGAATATGAT  
TGTGAATATAAATCTGATCTCCTCTAAAAAAGACCCACAGGA

>trans\_c\_10259NM\_122590|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein (AT5G27080) mRNA,  
complete cds

CTGTTCACTTAGTGCTACTCATTTGGAAGGGTTCAGCGTGGACATCCATGTCTATTAACCAACTCAGAGGTCA  
CAAGTTTTCTGTACTTACCTCATATATATGATAGGGCGCGGT

>trans\_c\_10260Novel Gene

ACCTTCTTATTACTGGACCCGATTCTTGCTTTCTCTGGAATTCTTCTGTTTCGGAACCTTTGAAGGAAAAGCCGT  
TGAAGCAGTTGATTTGTTTTGGATTCTTCTTTAGCGCT

>trans\_c\_10261Novel Gene

TACTACAATTAATTGCGTTTGCCACTACCGTTCCCAAGTAGTGTGATGACTCAGCATCTGAGCAGTGGGTACAT  
ACCATCAGAGCTGCTCGCAGCCAATTATAACGCAAACGGTGA

>trans\_c\_10262AJ295274|Nicotiana attenuata mRNA for allene oxide synthase (aos gene)

TCCGTTCCCACTCAAACCTCCAAGTTTTCAAACAGGAAGAACGGAATTGAAGGGACGGATTGTTTCGGTTGGA  
AAATGCAATAAGGGAAATCTCGCTTGCTGGTGTAGAATAGTAG

>trans\_c\_10263FJ046506|Pinus taeda isolate 3984 anonymous locus 0\_11443\_01 genomic  
sequence

GTCACCTCGAAAAGTTGCGATGATTATAAAAATTCCTCGTTCTGAATGCTATTATTGCGGCATGACTTTACTCTT  
ATGTTTGTATTCCAATTACGTGATGATTCTCCGTGTGACAG

>trans\_c\_10264XM\_002893038|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata tubulin beta-5 chain (TUB5), mRNA

CTACGATATTTGCTTCCGGACCTTGAAGCTCTCCACTCCAAGCTTCGGTGATCTGAACCATCTGATTTCTGCGAC  
TATGTCCGGTGTGACCTGCACAAACGCTACTTTAAAGTGAT

>trans\_c\_10265NM\_001123934|Arabidopsis thaliana Smg-4/UPF3 family protein (UPF3) mRNA, complete cds

TGAGAAACCAAATGCACTCTCAGGCATGCACTCATCAAAGATCGATGAAGTTGAGTCCTTTATGGGAGACGAT  
CCTTCTGATAGGAATCAGGTTAGGAAATGTGATGCCGGTGATA

>trans\_c\_10266NM\_001053549|Oryza sativa Japonica Group Os02g0529600 (Os02g0529600) mRNA, complete cds

GGTGATTGCTGGAGTTGTTTGTGGAGCAGTTGTTTTAGCTCTGATTATTGGTTTCTTTGTTTTGCTAAACGTCG  
CCGTGGGCGTGGTAAAGATTCTAGTACTGTTGAAGGACCGT

>trans\_c\_10267AF377997|Daphniphyllum calycinum PSI P700 apoprotein A1 (PsaA) and Ycf3 (Ycf3) genes, partial cds; chloroplast genes for chloroplast products

GTGAATACGACAGGCAAATCAAAGGGATAATTTCTCAGTGAAGAACCAATCAAGGAATTCATTATATCCCTT  
CTAATCTAAGATCCTTCAATTTTTTTTGGCGGGGGTGCTTTTG

>trans\_c\_10268BT015685|Arabidopsis thaliana At3g09860 mRNA, complete cds

TTTTCTGTTCTTACATGGTTCAATCCCTACATGTGGCAACTCTCCAATCAATTCAATTGGCATGACAAAGCGTTT  
TTGTTTGAGCAATACCACTGGACCCCTTAGATGTCCCAGAA

>trans\_c\_10269XM\_002863253|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 1, mRNA

GATGACAATTAGTATCTTTTATATGTATAGCGAAAACCTATTGTCTTGTTCATTTCTATAGCAACTTCTACCTG  
AAATGGGGCTGATTCTTATCGCTGGAGCGGGGGCTTTGGA

>trans\_c\_10270GQ997921|Ximenia americana voucher FLAS:W.S. Judd 8070 ribosomal protein S4 (rps4) gene, complete cds; chloroplast

TGGGGCAGCACCGGCACCCAAAATGCGTTTGGATAACATCCTTTTTTCGATTGGGTATGGCTTCGACTATTCTC  
AAGCCCGACCCGGCTTTAATGTATCACATATTTTAGTTAAAC

>trans\_c\_10271Novel Gene

TTGAGGGGGCTAAAATCTTTACTAGCTACATCCATATCATCATATAGGTCTCCATAACCCATTTTAGAAGTTGCT  
CGATGTCTCCATAAGTACAAACAGATGTTGAGTGATAATC

>trans\_c\_10272CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

GGGCCCCGGATTCCCCCGTACTCGGCGCGCACGGCCCCCTGCTCCTTCCAAGCCAAGGGGAAACAGTGTGT  
GATTAGCTAACCTAGCTCGCCCTCCCGCTCTTTTGCAGATCGTA

>trans\_c\_10273AF142588|Hordeum vulgare isoamylase 1 gene, partial cds

CTAGAATTCCGGGATCGAGAATCTGGCGGGAATTGTTTTACCACCTCCAGCTGTGATCGTCGATTTTATAGCAG  
CACGTTTCGAGTTTTGTGATGTATGCCGGATTTTTTGTGCCT

>trans\_c\_10274XM\_002885767|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata opda-reductase 3 (OPR3), mRNA



AAGATGAATATGGATTTCTGACTCGTCCGGAGGTGAATATGGAATTGGCTTCGTTCCACTCCTAATAAGGGAG  
AATTCCTTAACTTTCAGTCGCTTCGATCATTCTTTACTTGTTT

>trans\_c\_10275EF011022|Medicago sativa DH mRNA, complete cds

CCACCAGAACTTCAGGTTGTCTTGATTTCTGCTACCCTTCCTCATGAAATCCTGGAGATGACAAACAAGTTTAT  
GACAGATCCTGTGAGGATTCTTGTCAAGCGTGATGAGTTAAC

>trans\_c\_10276Novel Gene

AAAGGCTTGCCTTCCTAGGAGCAGGAACACATAAACCCATCAGAAGTTTGAGAACTTCGATTCTGGAATAGGT  
TGGGGGCCAAAAGATCATTTCCTCTACTTTTTCTTACTTT

>trans\_c\_10277NM\_120332|Arabidopsis thaliana short-chain dehydrogenase/reductase (SDR)  
family protein (AT5G02540) mRNA, complete cds

TTTGCCCTTTTCAACTTTCTGAAGATGGAATAGAGATGCAGTTGCCACCAACCATATTGGTCATTTGTAAACAA  
ATCTTCTACTTGAGAAAATGAAGAACACTGCACCCCTGTGT

>trans\_c\_10278Novel Gene

AAGTCGAGTGGCTTCGCTCCTCTCCCTATATTGAAAACACGAGTACCTTCGCTCTGAACCTTCCTAACCTCAGT  
CGAGTGGCTTCGCTCCTCTCCTATATTTCGGGAGCGCTCAT

>trans\_c\_10279XM\_002862463|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata basic helix-loop-helix family  
protein, mRNA

AAGAAATCTTCTCACATCCCCGGGTGTAATTTATCCATTGTGTATCAGAAATATTTTATTGTGAAGAGATTG  
AGTTATTCATGTATCAGCAATACTTCTCCTTTGCAGGTCGGT

>trans\_c\_10280XM\_003081818|Ostreococcus tauri breast cancer susceptibility protein 2 (ISS)  
(Ot11g00640) mRNA, partial cds

TCCCTGCGGATGCTAACGCAAAAGTACCCTTTTTAGTTTATTTTCATCCGAAAAGCCCTTTTCTTTTATAGGGGGCT  
GGAACATTAAGTTAAGTTGACTGCAAGCTAATTTAGGGGGG

>trans\_c\_10281U47845|Cytinus ruber 16S ribosomal RNA gene, chloroplast gene for chloroplast  
RNA, partial sequence

GCGAGGTGCTTACGGCTTCGCAGCCCTCTGTAAGTGGCCATTGTAGCATGTGTGAAGCCCTGGACATAAGGGG  
CATGATGATTTGACGTCGTCCCCACCTTCCTCCGAGTTGACCCC

>trans\_c\_10282NM\_120065|Arabidopsis thaliana kinesin-related protein (MKRP2) (AT4G39050)  
mRNA, complete cds

TAAAGATGGTGTGACTCCGGCTACTAAAAAGATTGAAATTGTTTGATCCAACGTGACGATGTTCTTCTCCAGC  
GGCTATAAATGATAAAGCATGTCCCGGGTCAGGAAGATAATCT

>trans\_c\_10283XM\_002890622|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase  
family protein, mRNA

GAAGAGATGAAAAACAGCCTGTTGGAAGGAGACAAGTTTTGTGCAAAGTACGGGATGTGTCCTGGGAA  
TGAATTAGATCGTAATGACAATGCTCATACGGTGTATTCTCC

>trans\_c\_10284EF590881|Lagenaria sphaerica voucher NMNH 06-8346 acetyl-CoA carboxylase-D  
(accD) gene, partial cds; chloroplast

GTACAACGTTCAAGCGTGTAGTGTGTGCTTCGGGAGGAGCACGCATGCAAGAAGGAAGTTTGAGCTTGATGC  
AAATGGCAAAAATATCTTCGCTTTATATGCGGGGTGGCCACCC

>trans\_c\_10285NM\_001062713|Oryza sativa Japonica Group Os05g0540000 (Os05g0540000)  
mRNA, complete cds

TATAGTAGCTCACCCCTTGGTCCTTGAAGGCTCACAAGAGGAACCCTATCTATAATGTAGATAAAAGTTTTG  
GTGCTCGTAATGGAGGCAGGCCGTTTGTTCACAGAAACGATTC

>trans\_c\_10286Novel Gene

GCTGTAGTATGTTCCAAGGGCCGGTGATGATTGATATTTTGATTTGCCTACATTGTCTGATAATTTTATGACTG  
AGAACACTCTGTCTGAGGCCTCGCCTTGCGGCATATCGTCGG

>trans\_c\_10287BT015028|Arabidopsis thaliana At1g43190 mRNA, complete cds

GAACGGTAAGAAGCAGGCACTCATCATGTTTGACACTGAGGAGCAGGCGACTGAAGCTCTTGTTTGCAAGCA  
TGCTAGTTTGCTTAGTGGGTCGATCATTCGCATTTCTTTTCCC

>trans\_c\_10288GQ144955|Solanum lycopersicum cultivar Micro-Tom EIN3-binding F-box protein 1  
(EBF1) mRNA, complete cds

CCCAAATCCCAAGGACTCCAGTTTATTCTTGTCCCTTCCTCACACGTTGATGTCTATTTTCCTCCTCGAAAGAG  
GTCTCGCATCACTGCTAGACGACTTACTATGCGCTACTCTG

>trans\_c\_10289Novel Gene

TCGAGCTAGTCTGGCAAGGTGTATACTTCATCAGTAGGCTAGTAACCGACACAGTCGTCTGAATTTGGGATTA  
TAACTACAGACTCACACAAATTCAACACTACAATATAAAAACT

>trans\_c\_10290NM\_124725|Arabidopsis thaliana GLT1; glutamate synthase (NADH) (GLT1) mRNA,  
complete cds

AATCCAAAGAGAAGTTCTATCAAACAAGTTGCGAGTGGGAGGTTTGGAGTTTCAATGTACTACCTCACTAATG  
CAGACGAACTGCAGATTAATAATGGCTCAGGGTGCCAAGCCTGG

>trans\_c\_10291tpg|BK006989.1|TPA\_inf: Sorghum bicolor Dof-type zinc finger protein 9 (Dof9)  
gene, complete cds

ACTTGTCCTCAAAAACAATTCTCAACCCCGACCCCGTCCTGAAGCGTGCCCTTGTGCTGTGGATCCTGTTCTTCG  
TGACACTGTGGATTCTCATCAAGGGAACAGAGGACATGGAGC

>trans\_c\_10292Novel Gene

CATAGCTCACTGCTTCCCCACAATCCGATTGATTAATCTCCATATTTTCTTAGCTTGATCTTGACTTCAGAGGAA  
GTGCATCAGCGACGCGTCTGCCGGAGCGGCTGACTCCGCGC

>trans\_c\_10293HM122518|Malus x domestica C3HL domain class transcription factor (C3HL7)  
mRNA, complete cds

CGATCTTGCTTGAACCTTTCAGCCTCTGATGATGTAGAAGGGTTCAAGAGAGAGGTTGAAGAAAAGGATTTGG  
ATGTTGATGAGCCGAGCTGAGGGTATGGAGAGAAGGCCAGATCA

>trans\_c\_10294Novel Gene

GATCTAGTTTATAAAACACTACTTGCATGTCCTTTTGAAGAAACCTAAACGGCTTCTAAAAACCTTAAGTAA  
TAAAGAGAGTCCCAACCCAACGAAACCAAAACCACGTAAAGT

>trans\_c\_10295EF469874|Helianthus annuus RFLP probe ZVG15 mRNA sequence

TCGGCGTTCCGTGTGAGGCAGTCGTTTCGTTCAATTCCTCTACACATCTAGGTGCCCTGAAGAATATCTA  
AAGAAATATGGAATTCATCTTTAGCGCTATCACATAGACGC

>trans\_c\_10296NM\_179487|Arabidopsis thaliana LOS1; copper ion binding / translation elongation  
factor/ translation factor, nucleic acid binding (LOS1) mRNA, complete cds

TGTCAAGATGGTTAAGTTTACAGCCGAGGAGCTTCGTCGGATTATGGACTATAAGCATAACATTCGTAATATG  
TCTGTTATTGCTCACGTCGATCATGGAAAGAGCTGGTCCGTGA

>trans\_c\_10297DQ673256|Forsythia europaea psaA-psbB fragment, chloroplast

CAAGAGAGGTTGAGCCAAAGAAACAGTTTGAGAAGGTTCAATTGTCCGAAATGAATTTCTAAATCTGGGGAT  
TTATCAAATAAAGTTCGTAAAAAAAACCAAATTCTTGTTGGGTT

>trans\_c\_10298AY579887|Citrus unshiu AML1 mRNA, complete cds

GTGTAAGTCAAGTTCATAAAATTACCATTTGTGTCGACTTAACTTGTGCTCCCTAGTGTACCTGGACTCATGAAG  
GATGTTTCTGGTGAAGTCTGGGAAATAACCAAAAGGCCTATCA

>trans\_c\_10299XM\_002891677|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP-binding family protein, mRNA

CAAGCTATCTCTGTGGGATTTGTTGGGTATCCCAATGTTGGAAAGTCATCTGTAATTAACACTCTACGGACCAA  
GAATGTATGCAAAGTTGCACCTATTCCAGGAGAACTAAAGT

>trans\_c\_10300HM150714|Solanum lycopersicum CMPG1 gene, complete cds

GGCAGGATCAACCAGGTAGAAAATGACTGTAAGGGATGATTTTGTAGCAGAGGGGCAAAGAGGATCCCTGA  
TAATGCTAACTAAAGCTTCAGATACTCCTTCAATCGCAGCCAATG

>trans\_c\_10301Novel Gene

CAAATGTGTGTGTTTCAAAATTACATAATTAGAAGTGGGTTTAATACGGTAGTACTGATATGCAGTATATTT  
CTAGAGGTTTATGCTTCTTTAAAGGAGTGATTGTATTTT

>trans\_c\_10302NM\_117048|Arabidopsis thaliana RPS18C (S18 RIBOSOMAL PROTEIN); RNA binding  
/ nucleic acid binding / structural constituent of ribosome (RPS18C) mRNA, complete cds

TGTCTAATGCTCTTGACATGAAGCTGAGAGACGACTTGGAGCGTTTGAAGAAGATCAGGAACCACCGTGTGA  
GTCTTACGGCAGTTTTGAGGATGTGAATGTTGACTACACAACC

>trans\_c\_10303GU245942|Hordeum vulgare subsp. vulgare cultivar Diamant x 1B-54B MLA16-1  
mRNA, complete cds

TTCGTTTAGGTGTCGTCGAGTCACAGTGTGACATTTTCGGCTTTTTCATATGCAAGCCTGCCAAGGCCAAAATTC  
TCAATATGTACTAGCTATTTATAATCTCTCAGGTAGTGTTT

>trans\_c\_10304EU605849|Oryza sativa Indica Group isolate Ba8 mRNA sequence

CATGACTGGAGAGAGTAGTGCAGGAGAACATCAAGACTGTGGAGCTTCATCAATGCTTCTAATGGGAGAGCC  
GCCATGGTGTCTATGGCCACTGAGACTTCCTTTCAGTCATCC

>trans\_c\_10305Novel Gene

CAATAACTCATCCATATGACATGGATCTCGGGATTTGATAGCTCTTGAATCCTCTGAAATTTTGACATTAACCCCT  
CCGAAGATTGAAAGACTCCCTAGGTCATAACAATGCCTA

>trans\_c\_10306NM\_119045|Arabidopsis thaliana AIM1 (ABNORMAL INFLORESCENCE MERISTEM);  
enoyl-CoA hydratase (AIM1) mRNA, complete cds

TGGAGGATATAGTGGAGTTCTAAAGGAGGATAAAGTATTCAGGGAACTTGTAGCAACAGACACTGCAAAAG  
GTCTTGTTACGTCTTTTTTCCAGCGGGGCCGCGACCTTGC

>trans\_c\_10307Z25863|S.tuberosum mRNA for glycine hydroxymethyltransferase

ATTTTCTACTCTGCAGTATCTATTTTTTTTGAGACAATGCCATACAGATTGGATGAGAGCACGGGCTATATTGA  
CTATGACCAGTTGGAGAGAAGTGCTACTCTTTTCCGACCTA

>trans\_c\_10308AY567972|Dunaliella viridis nitrate reductase (NR) gene, complete cds

ATACCGTGTATGCACGCGTATACATACACAAACATACACATACATAAGCAAGCAAGCAGAGCAGAGGCAGGA  
TATTCAAATGGAAGTGTGATCCCTTTGAGAATCACTCGCACTT

>trans\_c\_10309NM\_100500|Arabidopsis thaliana ATP binding / ATPase, coupled to transmembrane  
movement of ions, phosphorylative mechanism (AT1G06190) mRNA, complete cds

AGGGAGCGGAGACTCATCTTCTTCTTAAGCTATTGCGAAAGCATGCGGTGGAACAAGGGAAGAGAAGCAG  
TGGTGCGGGTGGTAGCACACCTTCACGACTGGGGCCAACGTGA

>trans\_c\_10310NM\_128763|Arabidopsis thaliana GCN5-related N-acetyltransferase (GNAT) family  
protein (AT2G32030) mRNA, complete cds

CATGGAACTCACTCTCCGCCCACTAGATCTCACCGACATCGACGACTTCATGGGCTGGGCAGCCGACGAGAAA  
GCCGCTCGATACTGCTCCTGGGAGCCTTACCAGGACAAATCC

>trans\_c\_10311XM\_002322478|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS51),  
mRNA

CTCTGAACTAATGTCATATATGTCTATTCTATTCCAGATCTGCCCATACTTCAAATTTGGTTACACATCTGCTAAT  
GCTGTATAAACCCCTCCAGTACCAGTTACTTGGGTATATC

>trans\_c\_10312AC174607|Solanum lycopersicum, complete sequence

ATTGCCACAACCAGAGCTGCTTGAAGAACGACAAGTAGACGAAGAAGATGAAGTTTAATGTTCTTAATGGTTA  
GGTTTCTTTGTAGTAAAACTTATTAATAATTTGTATATAAA

>trans\_c\_10313AP009369|Arabis hirsuta chloroplast DNA, complete sequence

ATTTTGGGGTTGCTAACTCAATGGTAGAGTACTCGGCTCCCGGACATAGCTAGACGAGGGGCACACGGGAGC  
GTCCTGCCACTCGGATGAACGCAGCGATTGCTCTGGGTGCCTC

>trans\_c\_10314FJ103599|Pinus taeda isolate 3992 anonymous locus 2\_8489\_01 genomic sequence

GGTGAGGAGAACATGCGAATCTCCGGCGGATCGAGTTCTTCGGCTTCCGGTGTAACCAATGGTGTGGCTGGA  
ATTCAGGGTGTTTTGATTAGCTCCAAATATCTTAAAATCATAT

>trans\_c\_10315AF424585|Arabidopsis thaliana At2g19880/F6F22.9 mRNA, complete cds

AGGCTTATCACGTCACCTCCTGTTGCGATTTTCCCTCATCCTCTTGCTAGTGATCTAACTTAGGAAGGTATTGG  
AATTACTTGAGAAAACAACTTTTGTTTTAGGGCTGCGTG

>trans\_c\_10316NM\_001059156|Oryza sativa Japonica Group Os04g0386500 (Os04g0386500)  
mRNA, partial cds

CAGAAGGGAGGGTTGGGCATACCACGAATATGGTACTTGGAGGAACAGTGACTAGTGATTCTTCCAATGAGT  
GGCTCGCTCTGGATCAAAGGTGAACTCGTACCCTGGCGAAAA

>trans\_c\_10317XM\_003080290|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot07g02320) mRNA,  
complete cds

GTGTTACATCAATCTTTCTAGGAGGAACTTGGGACGAATTGTTCCGATTCTTCTAGCCATCCATTGAGGTATC  
TCTCTTCGAGGACCATCGTCAAGTCTACCGGTCTGTAGGA

>trans\_c\_10318AL161579|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 75

TCAATTTGCTAAATGTGATGATTTGCAGCCATTGAAGAAAGATGGATCCGATGAAGGGACATTGCCTAATGTT  
GCCTCGCATATGCCATCAAAGCATAATGAGAAGTTAAAGCCT

>trans\_c\_10319NM\_001064840|Oryza sativa Japonica Group Os06g0665800 (Os06g0665800)  
mRNA, partial cds

GGTGGGAATCTGATAGAAGAAAGGGAGATCGATGCTCTGTTAATTCAACCTGGCGATGTGTTGAAGGTTCTT  
CCTGGTACAAAAATTCCAGCGGACCCACAACAACCCCAAAACC

>trans\_c\_10320M90664|Wheat ubiquitin activating enzyme (E1) mRNA, complete cds

AGAGGCTTGAGTTTCAGAATGGAGATCTTGTGGTGTCTCTGAAGTTCATGGTATGACAGAGCTGAATGATG  
GGAAGCCAAGAAGGATTAAGCCGGTACTTTAAGCGCTGCCGGT

>trans\_c\_10321EF135571|Neoscortechinia kingii maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

CATGAATGATTTGGCCAATCATGAATGATTGGTTATGAGACCATGTAAATGAGAATTTTACTTAATAAATCCTC  
AAGAGATACCAAAAAAATTCACCGGCCCTTTTTCGTTTTTG

>trans\_c\_10322Novel Gene

GGATCTTTTTTATTTCAATTTTCATAAAATAAACCTGAGGTGTGTGTCCTTAGACAGCTATAAAGGCTAATTTAGG  
AGAACAAACATCTGCAAGATATCATAAAAACCATCATTTTC

>trans\_c\_10323XM\_002890441|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kelch repeat-containing F-box  
family protein, mRNA

GTGCCTCAAAGTTTATATTGCTGGCCTTTTTTCGTGGACGTTGGAGGAGAAGTATATGATCCAGATGTGAATA  
CCTGGGTTGAAATGCCCATGGGGATGGGTGAGGGATGGCCTG

>trans\_c\_10324HM802937|Carica papaya cultivar Solo eukaryotic initiation factor iso4G (eIFiso4G)  
mRNA, complete cds

GGAGGTCATGCTCAGGCTTCTGCACGTGTCCAATCATCACTAATGGGCAAAACACCATCCATTAGTTCAAAT  
ACTTACCTCAGGGAAGTGGTGGTGAATTACAGGGAAAACAA

>trans\_c\_10325AM234605|Poa violacea subsp. aetnensis chloroplast matK gene for maturase K and  
partial tRNA-Lys (UUU) gene

CATAAAAAAATTCATAAATTATCGACTCCATCCGACTAGTTCGGGTTTCGAGTCCCTTCGTTCCCACCACGCCT  
TGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTCACTT

>trans\_c\_10326AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

CGCCAGTGTGCACGTCTATGTATCTATCTAAGAGATAGAGCCAATCCAATATTTTGTATCGTTTTGGCGGCATG  
GCCGAGCCGTAAGGTATTTTTTTTAAGCGGGCCGCTAGTCT

>trans\_c\_10327EF617599|Boehmeria nivea beta-amylase gene, partial cds

AGAGTGCAGGTGTAGAAGGAGTTATGGTGGATGCTTGGTGGGGATTAGTGGAGAAAGATGGACCTATGAAA  
TACAATTGGGAAGGCTATGCTGAGCTTGTGCAAATGGTTCAACC

>trans\_c\_10328GQ997855|Rhododendron simsii voucher FLAS:M.J. Moore 324 23S ribosomal RNA  
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

ACCACAGCGTGAGACAGTTCGGTCCCTATCCGTCGTGGGCGTTGGAAGTTTGAGAGGAGCTGTCCTTAGTAC  
GAGAGGACCGGGATGGACACACCGCTGGTGTACCAGTTGTTCC

>trans\_c\_10329NM\_122982|Arabidopsis thaliana 3'-5' exonuclease domain-containing protein /  
helicase and RNase D C-terminal domain-containing protein / HRDC domain-containi> (AT5G35910)  
mRNA, complete cds

AAGAGTACCAAAATGCAGACTGGAGATTAAGACCTCTCCCTGAGGAGATGGTGAGATATGCAAGGGAAGAT  
ACACATTATTTGTTATATATTACGATAACGCAGAGATGAAACT

>trans\_c\_10330AF195029|Glycine max plasma membrane Ca<sup>2+</sup>-ATPase (SCA2) mRNA, complete cds

GAACTGAGGTTATTATAGATTAGTAATTCATGTTTCACTGTTTGAATGCCTGCAGGGTTGGATTTGTCTCCTGA  
TTATGTTGTGCCTGAAGAGGTCAAACAAGCAGGTTTTGAAA

>trans\_c\_10331EU338520|Arachis diogenes rubisco activase 2 mRNA, partial cds

TCAAGTTGGTCGACACCTTCCCAGGCCAATCCATCGATTTCTTCGGTGCTCTAAGGGCGAGAGTGTACGATGA  
CGAAGTAAGGAAGTGGGTCGTCGCACAACCTCAAACCTATCGC

>trans\_c\_10332Novel Gene

AAACACGAGGGAATAGATGACGAAGAAGACGAAGAAGAAATGTTCTTAGACAGCAACAACCTGGATAATAG  
TCTAATAGTGCGAATTGTAGGTCCTGGACGTGGTAACTGTACTT

>trans\_c\_10333DQ191635|Solanum tuberosum serine/threonine protein kinase SAPK8-like protein  
mRNA, complete cds

GAGGTCATCTTGACCACTACCCATCTTGCAATTGTAATGGAATATGCTTCTGGAGGAGAGCTCTTTGAGCGTAT  
AAGCAATGCAGGACGCTCCGACAGTCTCAGAATGATATTCT

>trans\_c\_10334XM\_002320745|Populus trichocarpa potassium efflux antiporter, mRNA

CCCTGCGGATGCTAACGCTTAGAGAAGGCCGGTGCTACTGCGGTAGTTCCCGAGACGTTGGAACCGAGTTTA  
CAGTTGGCTGCTGCTGTTCTTGCTCAGGTACGCAAAGTCACG

>trans\_c\_10335NM\_001056401|Oryza sativa Japonica Group Os03g0301700 (Os03g0301700)  
mRNA, complete cds

ACTACTTTCTGATCAAACCTGACTGCCAGCGTATTCCTGGGAACCTTCCACTGCATTTTCTGTCTTTGCGATTT  
TTGCGTTCACGCCACCGTAAAGTGCCGCTAAAAACGCCC

>trans\_c\_10336EU180586|Solanum tuberosum retrotransposon RK11, partial sequence

TAAGCATCAGGGAGAACCACACTCCAAAAGCAAACCTATTGAGGTGGAAGAGTCAAGCCACTTAAGTACCACA  
TTGGTCATCCATTCTAACTAACACAACTGTTCTTACACCCA

>trans\_c\_10337Novel Gene

TCTCGCGCCACAGATCCTTTAGGACTGCAGATGAACTAAGAACCTCTGATACAGACTTGCAAGTGGCAGCAT  
TAATATTAAGTTTCTTGAATTCCAAGAATGTCAAATGTTC

>trans\_c\_10338NM\_122230|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing  
protein (AT5G23240) mRNA, complete cds

GGATTGGAGGTGTTGTCGATGCCGAGAAGATCATAAAGATCAAAGTCTGTGATAGAAGAAGCTGCCTTGCA  
GACAAAGTGTGGCATGAAGCTTTCTGGAAGTTGAAGGGTTGT

>trans\_c\_10339AF149311|Rauvolfia serpentina raucaffricine-O-beta-D-glucosidase mRNA, complete  
cds

AATATTACGGCGGATATCCATACCAACCACTATACTACGAAGCACCGATGCAGTACCAAAGCTACTCAATGGA  
AGCTAACCCGAGTTACTACTATAACCATTGGTATACAATGGT

>trans\_c\_10340AF181492|Lilium longiflorum elongation factor-1 alpha 3 mRNA, complete cds

CTGGTATTTCCAAGGATGGTCAGACTCGTGAGCATGCTCTTCTCGCTTTCACCCTTGGTGTCAAGCAAATGATC  
TGCTGCTGCATGTTCTACCTACGGTGGTGAGGGTTTATGAG

>trans\_c\_10341NM\_001065628|Oryza sativa Japonica Group Os07g0191200 (Os07g0191200)  
mRNA, complete cds

AAAGGTTCTCACTGCCATTGGAACTTTTGTATTGCTCCATTGCCATTGGTATGTTGATTGAGATCCTCGTTAT  
GTACCCGATCCAACACCGTGATATATCTCTAAACGCATCA

>trans\_c\_10342AF073744|Cucumis sativus raffinose synthase (Rfs) mRNA, complete cds

TGGTGGTCTGGACACCATGGCCAGTTGATTCTTCATCGGGTGGCATTTCGGTGATCGAGTACTTGTTTTAATTT  
TTATTTATGTAGAGAGACCGTCGGTGGTGGTGGTGGTGGCG

>trans\_c\_10343FJ708672|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

CAATGGAACTTGATGCAGTACCAAACACGGCGAGACTTCCAATCGACGACAAGAAGTACTGTTACACTTT  
GAAAACAGAGGAAAGAAGAAGGTATTTGGTTCGGGCAACTTT

>trans\_c\_10344FJ197315|Cucumis sativus cultivar Jinyan aluminum-induced protein mRNA, partial  
cds

TGCAACATTCAAAGTGGAGGGTCCTGCAGCTTTGGCGGCCACACGGTGAAGAGATTTTCTCATAGCAAAGGA  
CATTTTCATATATTTGTGTTTTAAACACCAACTCTTACGTCT

>trans\_c\_10345NM\_112204|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7D) (AT3G13580)  
mRNA, complete cds

CAAGAGAGGCTTTGAGGGATTCAACAAGCGAAGAACAGCTTTGACTGATAACTCCATCATTGAGCAGGCTCTT  
GGGAAGTTTGGAATTATTTGCGCTGATCTAGAGTAGGTACTC

>trans\_c\_10346XM\_002307850|Populus trichocarpa sodium-dicarboxylate cotransporter, mRNA

ACTGATGATATCCCTGGTTGGGGAGCTCTATTCGATGACCGTGCTGGTGATGGAACTGTCAGTGTGATGATGG  
CAACGTTACTATTTCATAATCCCGAACAGGAAGCAAGAGGGAG

>trans\_c\_10347XM\_002505779|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13 flagellar associated  
protein FAP74 (FAP74) mRNA, complete cds

TAGATACCTATTAAGCTTCGCCAAAAGCAAGACGAGGGCGCTCATACAGTCTGACTCAGTAGATGGGTGTCTG  
TACGCGTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGGT

>trans\_c\_10348DQ629361|Platanus occidentalis large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

TGAAGGCGAGAGGAGCCCCCTTAAAAAATTTTTCGCCATCAGTGAGATACCACTCTGGAAGAGCTAGAAT  
TCTAACCTTGTGTCAGGACCTGTAAATTGGAAAGTGACTCTG



>trans\_c\_10349Novel Gene

GTACCTTTTGTATAATGGGTCAGCGACTTTATATTCTGTAGCAAGGTTAACCGTATAGGGGAGCCGCAGGGAA  
ACCGAGTCTTAAGTGGGCGTTTAGTTGCAAAACGCGGGTGGG

>trans\_c\_10350Novel Gene

AAACAGATCGTCAATCAATTTGCAACGCCACTTCTGAGATACGTGTGTGAACTTTTGTACCTAATATGTCCCAT  
TATCATGAGGATGATACTGATTACATGGCACATGAGTACGA

>trans\_c\_10351NM\_001061271|Oryza sativa Japonica Group Os05g0163400 (Os05g0163400)  
mRNA, complete cds

AATAAAGAATGGGCGATCAGCCCCACACCCGACTGCAGCAGGGTGAATAAATAATGGTAATCATAATCAT  
CCTCCACCGCATGCATCTACTGCCTCACTCTGCGCACCGCATA

>trans\_c\_10352AB110464|Physcomitrella patens NRT2;5 mRNA for nitrate transporter, complete  
cds

CCGCCCCGAGTCCCTGACGCTCCGCTAGCAATCCTTCCACATTGGCCTGACCGGGCGGGGATTGAACCTAAC  
CATCTTAGGAAACGTCTGCTGAATTTATGCGCTGTCCCATAA

>trans\_c\_10353CT029183|Poplar cDNA sequences

CCTAGGAGAAGCAGACCCAAGAGTTGGGGAGACCTATAGGTATTTAGCTGAAGCCCATGTTCAAGCCTTGCG  
ATTTGATGAGGCTGAGAAATTTTGTCAAATGGCTCTTGATATC

>trans\_c\_10354AB237912|Nicotiana sylvestris chloroplast DNA, complete sequence

GTCCGTAGGATTGTCTGGCCATCTGAACTTGTGGACACCCAATAAATAAGTTTGATCTGTTTTACCGAGA  
AGGTCTACGGTTCGAGTCCGTATAGCCCTACCGGCGCGGCG

>trans\_c\_10355AY055724|Populus tremuloides cellulose synthase (CesA5) mRNA, complete cds

AAATGGGTTCCCTTCTGCAAGAAGTACAGCATTGAGCCACGAGCACCAGAGTGGTATTTTGTCTCAGAAGATTG  
ATTACTTAAAGGACAAGGTCCAACCATCATTTGTGAAGTCTA

>trans\_c\_10356HM363083|Chasmanthium latifolium photosystem II cytochrome b559 alpha  
subunit (psbE) gene, complete cds; chloroplast

ACCAGTATTCGATACTGGGTCATTCATAGCATTACTATACCTTCTCTATTTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGC  
ACGGGTTTAGCTTACGATGTTTTTGAAGCCCTCGTCAA

>trans\_c\_10357XM\_002306426|Populus trichocarpa CPK related kinase 5 (CRK5), mRNA

CATCTTCAAGGTTGTGCACCGAGATCTGAAACCTGAGAACTTCTTGATACATCTAAAGACGAGAACGCACAG  
TTGAAAGCCATAGATTTTGGCTTGCTGATTCGTCAAACCA

>trans\_c\_10358XM\_003056133|Micromonas pusilla CCMP1545 ras-related protein rab11a-like  
protein (RAB11), mRNA

TGTAAGCTGTTGGGCAGTGGAGATATACTTCGTAGTTAAATGGAAGTGTAAGTTTGTAACATAGAAATGACAT  
TATTTAAGTAGTCTTGATTGTTGACGCCTTTCGGCGCGTAAA

>trans\_c\_10359NM\_001068162|Oryza sativa Japonica Group Os08g0359000 (Os08g0359000)  
mRNA, complete cds

GATAATTGCAGAAGTTGGGAAAGGCGAGAATGATTTGTATGAAGTCCGGCTTATTCTAACAGTATTCCCGGT  
GCTTCACCGTGATAAAGTATATGGTGTAAATCAAATTCTGCTA

>trans\_c\_10360Novel Gene

AAAACCTTATGCTGTGGAGCAACTGCATTGATTTCTAAATAGAGATCCTCTCTCTCTCTCTCTCTAGAGAGAG  
AGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGA

>trans\_c\_10361DQ629470|Selaginella uliginosa small subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

GGGAGCGCAGGTGGTTTCTTAAGTCTGATGTGAAAGCCACGGCTCAACCGTGGAGGGTCATTGGAAACTGG  
GAGACTTGAGTGCAGAAGAGGAAAGTGGAAAAGGTTGTGTTTCG

>trans\_c\_10362X80170|O.berteriana rpl2 gene

ACCCGCCCAGAATGGCCATACATACTCAGACCTTATTCACATCACACAGCGAAGAAAGGCCGAATAGAAGGG  
GGCACTTATCACTTCTTGCCACGCCCCCGCCCAATCCGCG

>trans\_c\_10363AF130162|Jasminum mesnyi NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene, partial  
cds; chloroplast gene for chloroplast product

ATCATAACTATACTTTAACAATAAAATACTCGGAAAAGACCACATACGTCTGAAGGTTTTTGGTTGCCGTCGGA  
AAAAGTAGAAGGCCCACTGGATATAAGATAGGAATTGGAAGT

>trans\_c\_10364NM\_001053934|Oryza sativa Japonica Group Os02g0610500 (Os02g0610500)  
mRNA, complete cds

TCACCGATTTCCATGGATTCTAAGCCTCCTCAGCCTTCAGCTCTCAATCCTCCACCAAAACCTTGGAACGAGT  
AGGGGGATCGTCGGGTTCAGCACCTTTTAGTGCGCCATCGG

>trans\_c\_10365AJ504731|Nicotiana tabacum mRNA for bromodomain-containing RNA-binding  
protein 1 (brp1 gene)

AATATGTGAGCTTCAATGTAACCTTCGTGTTCTGGGAGGGATTTGTTTGAGCTAAGGAAACGCTTACTGGGAGA  
ACTTGAACAAGTTAGACGAATGTTCTTAGCATAACCCGAGGG

>trans\_c\_10366AY143800|Arabidopsis thaliana At2g23090/F21P24.15 mRNA, complete cds

CGAAGATGGCTCGCGAGAAGAACATGGAGAAGCTGAAAGCTTCTTAAGGGAAGTCAGCTCGAAGCAAAC  
AAGAAAGCAATGTCTATTCAGTGACGGGGAGGTGCGTGGGCAGG

>trans\_c\_10367AF032471|Citrullus lanatus ADP-glucose pyrophosphorylase small subunit (wms1)  
mRNA, complete cds

CCGGAGCAAATGATTTTGGGAGTGAAGTTATTCCTGGTGCAACTCCATTGGAATGAGGGTGCAAGCTTACTT  
GTATGATGGTTACTGGGAAGATATTGGTACCACCAAAGCTTT

>trans\_c\_10368BT000859|Arabidopsis thaliana At1g69890/T17F3\_8 mRNA, complete cds

TCGAGTGGGAACCCATCAGAGAAGGGTCGCAAGTCAAGTTCAAGACCCGATATGGGAACTTCTTGAGAGCTA  
ATGGGGGTCTACCGCCTTGGCGAATAAGCCAGTGGGTGCGCGC

>trans\_c\_10369Z35117|Vicia faba var. minor mRNA for alpha 1,4-glucan phosphorylase type H,  
(VfPho2 gene)

AGGACATGATCTTGAAGAACTGGTTGAGCAGGAGAAAGATGCTGCCCTTGGAATGGTGGACTTGGAAGGC  
TTGCTTCATGTTTTCTGGATTCAATGGCAACACTAAATTTGCCT

>trans\_c\_10370U19741|Urochloa panicoides carbonic anhydrase 1 mRNA, complete cds

TGGCTACCCCTTCGGCTCTTGTTTTACACCACCAGCAACACCCCTTCAGGGAAATCAAGGATTCTCAGCCTTTATT  
GTCGATATGCGGAGCTAGGCCTGAGGCCAGACGAGGGTCT

>trans\_c\_10371Novel Gene

ACTCAGTTCATCTCCCTCGTCGGTTGGCGAATCAAACATCGGTGATCTCATTTCTTCAGTCTTCCACGACAGTCA  
ATGTCTCTTGATTAAGGTAAAGTAGATCCCGTTTCCGTTT

>trans\_c\_10372NM\_001067007|Oryza sativa Japonica Group Os07g0647800 (Os07g0647800)  
mRNA, complete cds

AAGGTCTTAAGATGCTTGGAGTTAAACGAATCGAGCGTGTTCTACCTACTGGTACTTCCTTGACTGTTGTTGGT  
GAGGCTGCCAAAGATGATATTGGGCAACCTGAGGCCACCAT

>trans\_c\_10373AB032245|Cucumis sativus psbP mRNA for 23kDa polypeptide of the oxygen-  
evolving complex of photosystem II, complete cds

GTGTTTGGAAAAGCCAAAGACCAACACAGATTACTTGCCATACAATGGAGATGGATTCAAGCTTTCAATTCCT  
TCTAAGTGGAATCCAAGCAAAGAAAGAGAATCTTTTTCCCT

>trans\_c\_10374XM\_002875757|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PTAC16, mRNA

ATGAGGCTACACATGGCTTACTCCGGCGAGCTCCGCTGCCTGAATTACTTGCAATGCGTCAGATGTGGTAACT  
TCAGAGGTCGGACCGTTCTCTCCGGCACCAATAGTGACAACT

>trans\_c\_10375AY062654|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g21200; MXL8.5) mRNA,  
complete cds

CGAGAGAAGTTACAGATGAGAAAGGTGCAAAGTCAACATTTAATGGCATGTCCCAACAAGCTTGGGAGGTG  
GAAAGGAATTTTGTGGCTCCAGATTTTGAGAGAGTGAAGCAATT

>trans\_c\_10376NM\_119765|Arabidopsis thaliana senescence/dehydration-associated protein-  
related (AT4G35985) mRNA, complete cds

TTCCGGCGACGGAATCGGGATTCTCCGATAACCCATTTGAGGGAACGCTGAGAGTGAAGAAGTAGTGAGAAT  
CGTCGAGTTTTACAGCGGGTTCGTCTTTAGCTAATGGCCATTG

>trans\_c\_10377NM\_001062886|Oryza sativa Japonica Group Os05g0567500 (Os05g0567500)  
mRNA, complete cds

TTCGAACCGCGAAACGTTTTTCACGACAAACACAACTCCCTGGACTAGCGGCAACTCCTTTTCCTCCCCTCCTT  
TGGAATCCATGGCGGTTCCGAACCAATAGACGGATTGAGC

>trans\_c\_10378Novel Gene

AGTGACAATGACGAAGTCAATCAACGATAAACCGAAGTCAATTTCCAGATCAAATGACACAAAATCTGCAAAA  
CCTAAATCACATAATTGATGTGTAAACTATTCCAGATGATGA

>trans\_c\_10379GU828009|Cynanchum mongolicum histone 3 (his3) mRNA, partial cds

TCAGGAAGTTGCCCTTCCAGAGGCTGGTTCGTGAAATTGCCCAGGACTTTAAGACTGATCTGCGTTTCCAGAG  
CCACGCTGTTTTGGCATTGCATCTTCGACGATCCTATTATCG

>trans\_c\_10380AB197748|Oryza sativa Japonica Group transposon iDart4-1 DNA, complete  
sequence, cultivar: Nipponbare

CGGGAGCGGGGGACCACCAGGTTGCCTAAGGAGGGGTGAACCGGCCAGGTCGGAAACGGAGCAGGTCAA  
AACTCCCGTGCTGATCAGATCACTTCGATATAATGTGAGCGATCA

>trans\_c\_10381EU434020|Gloeotilopsis sterilis strain SAG 8.88 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

AGGGACAGTCGGGGGCATTCGTATTTGCTGTCATCATGGAGAATGAGGGTGATCTGCCCAGCATTGCGACC  
GCAGGTCCTTTGATAATTAGATGTGGTAGTAAGACGGTCCATT

>trans\_c\_10382CP000589|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 9, complete sequence

TCGGACACTCAGTGACCATAAGGATTCTAGGTGGATCATGGTAGCAAGATTGCAAGAGCTGTAGGTGCAGTT  
TTTAGTGCGTTATGTTTCAGTTGGCACAGCAGGGTGCCACACG

>trans\_c\_10383D14550|Daucus carota mRNA for extracellular dermal glycoprotein (EDGP)

ACGCCTTGCTGTCGCCGAGTATTTTATTAATGTAAAAGCCATTAAAGTAGACGGTAACCGCCTCGATTGAAC  
AAGTCGTTGCTCGATTAGAGGAAGCAGGATGTTTACAGAA

>trans\_c\_10384AB378090|Phaseolus vulgaris PvCIPK1 mRNA for protein kinase, complete cds

CATCCTAACATCGTTAAACTCCATGAGGTTCTCGCTACCAAATCTAAGATCTACTTCGTTATGGAGTTCGTCAA  
GGCGGCGAGCTTTTCGCTAAGATCGCCAAACCCCATTC

>trans\_c\_10385U79733|Beta procumbens nematode resistance (Hs1pro-1) mRNA, complete cds

GCCGAGTCAGACATGAATCCTCATCTGTGGAACCTACCACAACCTCGGTTCCCTTCGCCTCTAAGCTTCCCATCA  
CCATTACCAGAACTTGCTTGATGATCGGTAGGAGCGACG

>trans\_c\_10386HM363083|Chasmanthium latifolium photosystem II cytochrome b559 alpha subunit (psbE) gene, complete cds; chloroplast

ACCAGTATTCGATACTGGGTCATTCATAGCATTACTATACCTTCTCTATTTCATTGCAGGTTGGTTATTCGTCAGC  
ACGGGTTTAGCTTACGATGTTTTTGAAGCCCTCGTCCAA

>trans\_c\_10387AF223420|Asparagus officinalis xyloglucan endotransglycosylase XET2 (AoXET2) mRNA, complete cds

CTCCCCCGACCACACACAAACGTCGGCGTTGAAGTTTCTGTACGACGCTGTGAATGGAGCTTTTGACCAATCT  
GTCTTCATCGACCCTCCTCTTGTGCGCCAGTCGTCCGCGTT

>trans\_c\_10388AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TACGCCTTCAACCACTCGGCCATCTCTCTACAGAATGATTATGGCCCAGAAACCGAGTTAATAGTGAGTCATT  
AATATTCAATTTTTTTTTTTCGCGTTACATGGGTTTTGCCT

>trans\_c\_10389GQ463742|Dalechampia olympana voucher Manaus internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

GTTCTTCATCGATGCGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTCTGGTCGAATTTGCAAGTGTT  
GGATCTATTATGACATAGCCATGAGGCGCTCAACGGACCTTT

>trans\_c\_10390XM\_002869409|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata regulatory particle triple-a 2A (RPT2A), mRNA

TCCAACCCACCTATATCAGCATATGACTCTAAAGGGGCCTTCTCAACTTTCATCACAGACACCATTGGATCAAC  
CTCATCTTGGAGAAGTCCAACAACGGAAGTACCTTATTGT

>trans\_c\_10391XM\_002314864|Populus trichocarpa aminophospholipid ATPase, mRNA

TCAAGGCATTTAAAACAAGTGTAGCTCAACAAATAACTGATGCGAAAGCATTGCTTACATCCTCAAGCGAAAC  
CCCAGAAACATTGGCTTTGATAATTGATGGAAAGGAAAGACA

>trans\_c\_10392XM\_002882072|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata serine-type peptidase, mRNA

TTTCTGACACAAGTGA CTACACACGCGGGTGGCGTCACGAGGAGAAACCTCAATTCTGGCATCTCCACCATC  
TTGAGTTTCCACCCAGTAGAGCGTCGATGGCTTATCTGCTCT

>trans\_c\_10393NM\_001057633|Oryza sativa Japonica Group Os03g0719900 (Os03g0719900) mRNA, complete cds

GGTGGGGTCTAGGGTTTGGCATCCCTGCAGTATTTATGGGCCTTGCTATTGTAAGTTTCTTTTCTGGCACAAAG  
CTCTACAGATTTAGAAACCGGGTGGAAGCCCAATTACATG

>trans\_c\_10394X13913|Wheat signal recognition particle (SRP) 7S RNA variant 1

CGGTGTCGCCGAGCCTGGTTGCGAGGGCTTATGACCCGAGTGGGGGCATCAAAGTGATGGAACGGGAGGTT  
TCGTCTGCTGGGCTGGATTGGCGTGGATTGTTCTGGGCCAAA

>trans\_c\_10395AJ001292|Craterostigma plantagineum mRNA for major intrinsic protein PIPa2

CCTGCTGTTTCGAAAGAGATCCAGGAGATTGTGCACCATGCCGTGCCGGATCATCACCACCATGTTCAGCCGG  
AAATTCATGTCGAGATCGGGAAATTGGAGCATCGAGTTGTTT

>trans\_c\_10396NM\_001065327|Oryza sativa Japonica Group Os07g0122300 (Os07g0122300)  
mRNA, complete cds

TCTCGCCGGGAATTTTCCGGTTAGTCAAATCCTCAGTCGCGATCTCGGCAACTACCTCAACCGGACATGGCGG  
CTGCAGCTACAACGAGCGTTGTGCCACCGGGGCGGGCATTGG

>trans\_c\_10397DQ490234|Capsicum annuum PIP1 (PIP1) gene, complete cds

AAGTCTTAGAGAAGTTGATGTCAAGTCTGGACTCCCAGCCACCACAAGCACCGAAAGGTTGGAACCTTCTTGAT  
GATGATAAACATATCCTTAGCATCAGAGCGACCAACAACAGC

>trans\_c\_10398NM\_112192|Arabidopsis thaliana ECT2; protein binding (ECT2) mRNA, complete cds

CCCGAAACCGGGTTTGTGTCCACCGCAAGCCACACACGCCCATTAGTTCTTGAATCATAACCATGTGAGGCA  
AACCTACACCAGATCTGACTGTGTTTCCAAATTGACCATAC

>trans\_c\_10399Novel Gene

GCCCGAGGCCTACGCTTTTTGAATCCAATCTGCTCGTGGCGTAACTGCCGCAAGAGCGGAGGGGGGAGCGG  
CTAGGGGTGGGTACCTAGTAGGTAAGAGGGATCGCCGCGGGC

>trans\_c\_10400X56268|N.tabacum gene for an auxin-induced protein (pGNT1)

CCGGATATTGATCCAAGTTATCTAATTATTCTTTGTTTTGTAGTACAATACTTTACTGGATTTCACTTCATTATA  
ATATTTATCATTTAGTTTTATAGGGGTAAAGCACTGCC

>trans\_c\_10401EF584898|Glycine max OAS-TL3 cysteine synthase (OAS-TL3) mRNA, complete cds

AACACCTAAGTTCGGAGACATATTGGATATGGATGTTATGGATAAAGTTCTTGAAGTAAGCAGTGAAGATGCT  
GTAAACATGGCTAGGGAACTAGCAGTAAAGTCCTTCATAAGT

>trans\_c\_10402GU732452|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D28)  
mRNA, complete cds

CAGATCTGACGTTCCAGGATACGACGGATTTCGACATGGGAACAAGCTACAGAAAGCTGTATGTTGCAGAAAT  
ACCATCGGAAATCGATTGGGCTTCGATATTCACAAATTGGCA

>trans\_c\_10403Novel Gene

TAACAGGCTGATCTTCCCAAACAGGACGGAGTCAGAGGATGTCTCTCAGATATTTAAGGATTTGGGGATAGT  
GTCAATTGAAACATTGACCCCTCCGGTCGGCCACGACACGAG

>trans\_c\_10404CP000587|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 7, complete sequence

GTGATTTTGAAGGAATTCTTGGGTCTGAGGACTGATTTTCTCTTTTGAAGATATTTGGTTTCTGTTGATT  
TCCCATAAGTGATTCTGGTGGGGTTTTGTCTCTAGTTGCC

>trans\_c\_10405XM\_002303469|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit  
(CHR926), mRNA

TGCATTTATGCCGAGACGTCGCCAGTGCTATGGGTTTTGCCTTATGTAGATCCAAAATGATGAATGGGATTG  
TGGCACTTCACTCGCCGCAATGCGGAAGGATGCCGCCGAAT

>trans\_c\_10406BT010734|Arabidopsis thaliana At1g50260 gene, complete cds

TGTTGCAAGTACCCATGGTACTGCAAATCATTGGCTCGACGGGACGTTCTCCGCTCAACATTCCTAACTGATAA  
TGGTTCTTCCCCAACGAAAACGCTTGATTTCCTCTCT

>trans\_c\_10407AY221722|Bryopsis hypnoides 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; plastid  
gene for plastid product

TTCAAATCCAACGAATTATTGAAGTTCAAAGGATCGAATTCCATGTTGATTTCACGAACCTTGCAGCTTTTCTC  
TGCTTCGCCGTTGGTGTCTTCCGATCTCTACGCATT

>trans\_c\_10408GU966590|Medicago truncatula nitrate transporter NRT1.1 mRNA, complete cds

GAAAGAGAGGAAGGCATCCGCTGTGGGACAAAGTACTCGCATAAGTGCTTTCTGGTTGATACCTCAGTTCTTC  
TTGGTTGGTGCTGGAGAAGCATTTGCATATGTTGGACACAGA

>trans\_c\_10409Novel Gene

CATCAAGAAGATGAGATTGTAAACAGGATGAAATTGCAAACGAAAATGTATCAGCTAATCATCAAGATATCT  
CAAATCCAAATAGTTGTGAAGCCGCCAGGAGCCCACTCGTAT

>trans\_c\_10410Novel Gene

CGTTGTTTCTGTCTAGGATTTACTGATTGTTATACTTGTAGTTTGTCTAATTTTACGAATATTCTTGAGACGCTA  
GGGTGAGTTACTACAGACTATGTTTAAACATCTACTTCTG

>trans\_c\_10411NM\_125019|Arabidopsis thaliana calmodulin-binding protein (AT5G56360) mRNA,  
complete cds

CAAGGCTCAGCTTAACGATAACTTCTGCGATTGCCCTGATGGCACTGATGAACCTGGCACATCTGCATGCTCG  
AATGGGAAGTTCTATTGTGCAAATGCAGGGCACGCTCCACTT

>trans\_c\_10412AJ440001|Oryza sativa (japonica cultivar-group) a3 gene for plasma membrane H<sup>+</sup>  
ATPase, exons 1-21

CAACCTTTTGGTTCTCTTGATTGGAGGCATTCCAATTGCTATGCCTACTGTCTTGTCAGTGACCATGGCTATTGG  
TTCTCACAGACTGTCTCACACCTGTGCTTTGTGTTTCTGG

>trans\_c\_10413AB527005|Hordeum vulgare HvIDEF1 mRNA for iron deficiency-responsive element  
binding factor 1, complete cds

GATCCAACACTACCCCCCTCTGAGCTGAGTCGCACCTCGGTAGAGTGGAGGGGGGGAAGGGCGGGGGGTCGGG  
TCACGCTCGCTTTATGGCGATAATAGAATATCCCTAACGAATG

>trans\_c\_10414NM\_122958|Arabidopsis thaliana iqd33 (IQ-domain 33); calmodulin binding (iqd33)  
mRNA, complete cds

TCTGTTAGATCTTACCTGTGTGGGGATGAGTACAATTCAGTTCTTGTGAGGAAGACGCAGCTTCCATTAGAA  
GCTCTGAAGCAACTGTGACACAGCCACAACACGAGCTAGAGG

>trans\_c\_10415NM\_121572|Arabidopsis thaliana binding (AT5G15680) mRNA, complete cds

CGAGAATCTGATACAATACCTCCAGATGTTACTCTTCAGTCCATAATATTTGAAAGTCCTGATAAGAACAGGTG  
GGCGCGCTGTCTCAGCGAGTTGGTTAAGTACGCTTCTGAGC

>trans\_c\_10416BT008375|Arabidopsis thaliana At4g00570 gene, complete cds

AGGAATACCTATAGGAAAGCTGGATATGTATGTTGCTGCTGCTGGCATAAACCCCTCAAAGAATTCTTCCAGTA  
ATGCTAGATATTGGCACTAACAGCCAGAAGCGACTGCTTTTC

>trans\_c\_10417Novel Gene

GCCCCGAGGCCTACGCTTTTTTGAATCCAATCTGCTCGTGGCGTAACTGCCGCAAGAGCGGAGGGGGGAGCGG  
CTAGGGGTGGGTACCTAGTAGGTAAGAGGGATCGCCGCGGGC

>trans\_c\_10418AM779094|Gagea trinervia chloroplast psbA gene (partial), IGS and tRNA-His gene,  
specimen voucher 6/IV/1933 Pampanini (FI)

GCTGTCACGCGGCGTTCCGCACCCCGCTTGCTGCCCTTAACTTGGGCGCTGCAACAAGCCTGTGGCTCACTGC  
CTTGATCCACTTGGCTACATCCGCCCCGTCTCAATCCGCATC

>trans\_c\_10419EU999948|Oryza barthii IRGC seed accession 106205 shattering 4 (sh4) gene, exon 1  
and partial cds

TTTCTCTTCCTTCATCTTCTTCTCCTCATAAACATAAAATTCTACAAAATACTCTTTATTTATTCATTCATTTATTT  
ATTTACTTTTCTTTCTTTATGTTAAAGGCTAGCCCCCT

>trans\_c\_10420NM\_129823|Arabidopsis thaliana MAX2 (MORE AXILLARY BRANCHES 2); ubiquitin-  
protein ligase (MAX2) mRNA, complete cds

CCTTGTGGGAGAGATTCTTCTGAATGGAATAGGTAGCCTAGGACTTACAGAGCTTGATTATTGGCCACCACA  
GGACAGGAGTTTCAATCAGAGACGACTTAACGCACGCTGTCC

>trans\_c\_10421NM\_102066|Arabidopsis thaliana senescence-associated protein-related  
(AT1G22160) mRNA, complete cds

TCCTCGGCTCCACGTTCAATTTCCGGTTCTTCTTCTTTGAATATGCTGCTTGGGAAACGCCCTCGCCTTCCGAT  
CAAGAGAACTACCAGTATGACTGGACGCAGTAAGACGGAG

>trans\_c\_10422Novel Gene

CATTTCAAACCTCAATCTTCAAAGCTCCCGCCGACGTCTTTTCAGCCTTCATCCACCACAGCTCCACGACTCAGG  
GATGGAGTTTTCAAGAACAGCGCAGAGCTGAGGACAACCC

>trans\_c\_10423X75898|S.oleracea pgm mRNA

TGGGGCACTTAAAGAGAATTATTTTTTGGATGATGGGGCTTATATGGTTGTGAAGATTATTATTGAAATGGCT  
AAAGAGCCGTTGAGACTAGGACGTTGATAGGTTGGATGTGG



>trans\_c\_10424FJ708714|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

AATGGAGGTAAGTCAAGACAATCGAAATCTTCACGAGTCGGAGTGGCTCTTGGAGTGATTGGAGTTTTTG  
CTGCATTCTCAGCCATTGGTCTGTAGACATTTCCGCACATAG

>trans\_c\_10425BT001998|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At3g11570) mRNA, complete cds

TCTGTGTATTCTTTGTTGCAAGCAGCTAGTGAAATTTTCATCTCGAGGTGATAGTAGAGACAGAGACGTGAATG  
TTTTTGTGAGAGGAGTTTACTACGCCAGTCTGCTCCTTTGG

>trans\_c\_10426Novel Gene

TTTCATCGGTCATCAAAATTTCTGGTTCAAAATCTGTTACTTCAAGCTTCCTTGCACTGCTTAGAGATTTCCCTTT  
GAAACCCATTAAAGAACTCGACTTGATAGCCTAGGTTT

>trans\_c\_10427FJ901246|Vitis vinifera CBL-interacting protein kinase 18 (CIPK018) mRNA, complete cds

AAGTCGCGCCTTGTGTCCATGTGGTTGAGATGCGAAAAGCAAAGGGAGACACTTTAGAGTTTCACAAGTTCTA  
CAAAAACCTTTCCACCTCTCTGGAGGATGTTGTTTGAAGA

>trans\_c\_10428XM\_002314593|Populus trichocarpa SIN3 component, histone deacetylase complex (SNT902), mRNA

AGCCCATGCTTGGTGTCCCTTCCCGACCTCATGGAGCCGAGGACACTGAAGATGTTATTAAGGCAAAGATCCA  
TCCTACCAAGAGTGCCACACACACGAGAGATACTGGTGTGA

>trans\_c\_10429AF250923|Spinacia oleracea plastid ribosomal protein PRPL5 (PrpL5) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

CACTAGCAGCCGTTTCTGGGAACACACTCTGTTACGGATACCGATGGAGTAATTTCCATGCCCATCAAAGCTA  
CTTGAGTTCAGTCCCTGAAAGTCCCTTGTCCAAGCCACTG

>trans\_c\_10430Novel Gene

GGGCGGAAGAGAATGGAGAGGAAGAAGAAGAGTTTGATGGGGAGGAGGATCAAGATGATGATGGTGATG  
ATGATGGTGATGACGATGATGGCGCGTCTTCGTCTCGCAGTACAG

>trans\_c\_10431NM\_001063873|Oryza sativa Japonica Group Os06g0264800 (Os06g0264800) mRNA, complete cds

ACTCAGTTCCTTTGCTTCCGAAGATACTGGAGTTGGTAGGGCTTGGATATACAGGGTGGTTTGTGTACCGATA  
TCTACTCTAGTTCAGTTCGTCTTTCCTTTGCTATGATCGTG

>trans\_c\_10432AM939973|Triticum turgidum subsp. durum UTR region for TdLFC47 gene

ACTTGTTGTACGTTAGTGATGACTAGATGTAAACATCTGTGTTGGGTTGGACTTTATAACGAGCGAAACCCTC  
GTTTTGTGTTGCTGAGTGACGCGGATTCTAGTTCAGTTT

>trans\_c\_10433AJ278704|Fragaria x ananassa mRNA for beta-galactosidase (beta-gal2 gene)

GGAAACGGAGAGTGTGGTTTCTGGATCCATACTATCCTCGCAGTACTCCGGAGATGTGGCCGGGGATTAT  
TCAGAAATCTAAGGATGGAGGTTTGGATGTGACTGATGTTG

>trans\_c\_10434GQ997855|Rhododendron simsii voucher FLAS:M.J. Moore 324 23S ribosomal RNA  
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

GAGCTGGGTTCAGAACGTCGTGAGACAGTTCGGTCCCTATCTGCCGTGGGTGTTCTGAAGCTTGAGAGGATCT  
GTCCTTAGTACGAGAGAGTTAAAGCAGACACACATGACCACA

>trans\_c\_10435XM\_002881530|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATAMT2, mRNA

GCCCTCCCCTGACGATGCTGGCATAGAGAATCACAAGTCCAGGCATGCTCTGAAGTCTACGAGAGTGGAGG  
CTGTAATTTGCCAGGAATTGTCGCCGGTGTGAGCCATGATG

>trans\_c\_10436Novel Gene

TAGACCGCCACCCAGGGCATTTCACCTATGAAGATGCGTCACTACCTAACGAAGACACTCTTCTGTACCTCA  
TTGAGAGGTGTTATGTTGCAAACGTATGTGGACACCCACC

>trans\_c\_10437EF534312|Thellungiella halophila TUA2-2 mRNA, complete cds

CCAAGGTTCAAAGAGCTGTATGCATGATCTCCAACCTCCACAAGTGTCGCAGAGGTCTTCTCCCGCATTGACCAC  
AAATTTGATCTCATGTACGCACCTCTTTAGGGGTGTGTAA

>trans\_c\_10438Novel Gene

TCTGACCTGCGGGGAAAAGAAAGTACCTTAAGAGAGGGCCTCGTCGTCTTGATTGTTGAAAGAATCTTCCATC  
TTAATGCTTGAAGTTTTGCAGAACTTTACCTACTCTACC

>trans\_c\_10439XM\_002888746|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

CTCGTGTGCAGCACAGAAATGTTGTCAATTTGTTGGGATACTGTGTGCATGGTTCAGAGAACTACTGGTTTA  
CGAATACGTCATGAATGAGAGCCTCGACTTCGAAGATCCCG

>trans\_c\_10440AB353307|Lotus japonicus BTB/POZ mRNA for BTB/POZ domain-containing protein,  
complete cds

AAAGGAGAGGGAAATTTCTTTGTAGGTGTTGCGCGGAGCATCTCGAGAAGCACGGAATTCATCTACTGGCTC  
TCTCGCATGTTTACATGGTGCCGCATATGAAGCGAGCGTGTA

>trans\_c\_10441XM\_001701060|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTCATAAGCATTCCGTCTTCAGGAGCAACCTTCCATGGACACCCCTTGGGGAAGAGACGTACGACCTCCTGCG  
CGACCCCCCGGTCACAAGGGTAGTACCTTCTCTAACTTCT

>trans\_c\_10442AY148193|Synthetic construct thioredoxin/transketolase fusion protein gene,  
complete cds

GACCACTACACATATGTTATATTGGGAGATGGCTGTCAAATGGAGGGAATTGCCAATGAGGCTTGTTCTTTGG  
CTGGTCACTGGGGACTAGAGGGAGAATAACCTCTGTATGAA

>trans\_c\_10443NM\_001067803|Oryza sativa Japonica Group Os08g0220600 (Os08g0220600)  
mRNA, complete cds

TATAGTAGGGAGTGCAACCACAATGTTTTGTGGATTTGTTAGTGTTTCATGTGTTGTGTATATATTTTATCTTT  
CTCAAACAAAACCAACCCGGGTCGGAGCTCGGAGCGGCT

>trans\_c\_10444NM\_001060834|Oryza sativa Japonica Group Os04g0682800 (Os04g0682800)  
mRNA, complete cds

TCGCTTTTTTTCAGCATCATTCTTTTCGTTTACGGTTGATGGGACAGAGTTCACTCCAGCATTAGTCTTCCAGGG  
TCTTCTGGATTCCACCAAAAAGGTTAATAAAGCCCCCTC

>trans\_c\_10445FJ901201|Sorghum bicolor CBL-interacting protein kinase 23 (CIPK23) mRNA,  
complete cds

AAGGTTAAGTTTGCTCGGAATTCGGAGACCGGGGAGAACGTGGCGATCAAAATTCTTGATAAGGAGAAAGTT  
CTTAAGCATAAGATGATCAGTCAGATTAAACGTGAGATATCA

>trans\_c\_10446NM\_001055690|Oryza sativa Japonica Group Os03g0179000 (Os03g0179000)  
mRNA, complete cds

CTCGAGAGTGACAAGTATGATCCGATCAGTTTTCGAGTCGGCTGCAGTGGTTCACCCCGAGATGCATAGTCCA  
TTCTCTAGAGCCATGTATGGTCTGGATGTGATGCTTGATTG

>trans\_c\_10447NM\_120720|Arabidopsis thaliana NC domain-containing protein (AT5G06370)  
mRNA, complete cds

CTACCTGTGTTCTCTAGAAGAAGGGAATGGAGTTGTTTCCTCATGCTTGAAGTGTTCCTTGCCGGTGGAGTG  
TTGTATCGTTTCGAGTATGGTGTGCTGAAGTAGAGGGGGA

>trans\_c\_10448AF039851|Glycine max ferredoxin-dependent glutamate synthase (glu) mRNA,  
partial cds

GGTGGGTTGACGTTTGATGAGTTAGCCAGGGAGACCCTGTCTTTCTGGGTGAAGGCATTTTCCGAGGATACA  
GCTAAGAGGCTAGAAATCCCCAAGCCCGCTGCGGACTCAAC

>trans\_c\_10449EU912423|Glycine max serine hydroxymethyltransferase 5 mRNA, complete cds

GCTAAAACTTATAACCTTCACTATATTTGTTAGTCATAACAGATCCAAGTCTTGCATCACAGACACGGAAGTG  
AAGTTCTCAGATGGTATGAGTTCCAGGCCCTTCCATTGCC

>trans\_c\_10450AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

TACCGTGCTAAATCTTGTGCGTCTTCAATACACGTACGTACACGACACAACCTCCCTCTAGACCTAGCTGCTAT  
AGAAGCTCCATCTATCAATGGCTAAGACCCCCCGTTCCG

>trans\_c\_10451NM\_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);  
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

AATGCCGTGGAAGTGGATCCAGAACGTCCAGTATTAGTCGACAAATATCTATCAGATGCTATTGAAATTGATG  
TTGATGCATTAGCTGATTCATGTGAAATCGCTCCATATTGC

>trans\_c\_10452NM\_129687|Arabidopsis thaliana GLU2 (GLUTAMATE SYNTHASE 2); glutamate synthase (ferredoxin) (GLU2) mRNA, complete cds

AGAAGCCACACATGCTCTATGATTATTTAAGCAACGGTTTGCACAGGTGACAAATCCAGCAATTGACCCTCTC  
AGAGAAGAGTCGACTGCACTCTCCAGGACTGGCGCCAGAA

>trans\_c\_10453AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete sequence

CCAATGCAAATCGAATGCACTAGTAAATCACATGGATCTAGGAACGACTTACTGTATTTTATTTGTGGACAAGC  
TAGAGTTTGAGAAACGAAGATCTTTGGTTTGAAAACGGTG

>trans\_c\_10454FJ594401|Glycine max diaminopimelate epimerase mRNA, complete cds

ACGGAATTGCACCGTTGATCTGCCTGGAGGACCATTACAGATAGAGTGGAGTGAGCAAGACAACCACGTATA  
CATGACAGGACCAGCCGAGACGACACCTGCGTTCGCGTTCC

>trans\_c\_10455EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

ACCTGAGGATCGCTCCTAGAGAAGTTGACAAGCTGAACAGCCGCATCAAGTGCATCAGGAGCCCATGAAGG  
AGGTGCTTCTAAAAGCCCAAGAAGAAGTCTTTGAGTAGCACT

>trans\_c\_10456FJ834456|Pelargonium x hortorum argonaute 4-like protein mRNA, complete cds

AGGGAAAAGAAAGCCAGATCAGATTATCATATTCAGGGATGGTGTCAAGTGAATCCCAATTTAACCAAGTTTTA  
AATGTTGAACTAGATCAGATTATCCAGGGGGGTGTTTGTGCG

>trans\_c\_10457GQ998705|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 RNA polymerase beta' subunit protein (rpoC1) gene, complete cds; chloroplast

TGCCCAGTAACCCATGTGTGGTATTTAAAACGTCTTCCTAGTTATATCGCGAATCTTTTAGATAAACCTCTTAA  
GAATTAGAAGGCTTAGCGCGCCATAGCCCCCAGGGCAGG

>trans\_c\_10458XM\_002871168|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein S8e family protein, mRNA

TCACACCAGCTGGGAAAGTAGTATGGGGGAAGTATGCTCAAGTGACCAATAATCCGGAGAACGACGGTTGTA  
TAAATGCTGTTCTGCTTGTCTTTTGTGGCTACTACTACCC

>trans\_c\_10459DQ335610|Coffea congesta WRKY1 (WRKY1) gene, exons 1, 2 and partial cds

GGGATTTTTGATCTGTGATCCGGAATCTTGTTATTGTTTCGTTTTGTACTAGGGTTTCATCATGTAAATTTTG  
GTGATTTGATATGGTCTAATCCTATAAACCTAGTCTTC

>trans\_c\_10460NM\_126761|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L5 (RPL5) (AT2G07725) mRNA, complete cds

TCCATGAAATTCTCGATGGAAACGGAGTTTTTCGAATTCTCCCGGAAGTGGCAGATCATTTGAGATCTTCTC  
TAAGACTCTAGGGTTCAATGTGGTCGCCACTGAAGATCTT

>trans\_c\_10461NM\_001066791|Oryza sativa Japonica Group Os07g0613500 (Os07g0613500)  
mRNA, complete cds

TTTGGGTTTTGGAATTAGGTCATTTGACACCGAAGAGCGACGTATACAGTTTTGGGGCAGTTCTACTGGAGAT  
ACTATGCGGAAGACGAGCGTTGGATGCGACAAAGACAGGAA

>trans\_c\_10462DQ267933|Cucumis melo var. inodorus phospholipase D-alpha (PLDa1) mRNA,  
complete cds

AAATGGAGATTCGGATAGGAGGAGAATTGTGAGTTTTGTTGGTGGCATTGATCTCTGTGATGGCAGGTATGA  
CACACCCTTTCACTCCCTTTTCAGGACATTGGATACTGCACA

>trans\_c\_10463D82879|Chlorella vulgaris retrotransposon Zepp DNA, teromeric repeat-associated  
sequence

CGAAGGAATTCTTCGAACTCCGGCTGTGGAGCAGCTCAAGCCAAATGCTAATGGCACTCCAAAGAAGAACCA  
AAGAGGTAACACCGGTAAGTCAGTGGCTTCACTGAAAGCCGA

>trans\_c\_10464Novel Gene

CTCCATTCTCACACTCTCTCACTCTCTCTCAATCTCTCTCTTTTTCTTCAATGGCTTCCAACACCTTGATGA  
GAGTCAGCATTGCCACACAATAGGGAAAGGACAACCC

>trans\_c\_10465DQ873689|Arachis diogeni mitogen-activated protein kinase 20 mRNA, complete cds

CGGTAATTCCTCTTGACAGAAAGCATGTATCCCTTCCAAGGTCAACAGTTGTACACTCGAACCCGGTCTATTCT  
AAGGACCAAGTAAGCAATGTACCCCTCCAGAGCAAAGGAG

>trans\_c\_10466Novel Gene

TTTGATTTTCTTTCTTTATCTAAAATCTTTGTTATATTTCTTTCTTTTCTTGTCTAGTTTTGTTGTTGTTGA  
GTGGATTGGAGAGGTGCACCTACCCACTGTACACCA

>trans\_c\_10467DQ849630|Phelipanche ramosa methionine synthase (met1) mRNA, complete cds

AAGCTCCAGGAAGAGCTCGACATTGATGTCCTGGTTCATGGAGAGCCCGAGAGAAACGATATGGTTGAATAC  
TTTGGGGAGCAATTGTCCGGTTTTGCTTTGTGGCACCCGTTT

>trans\_c\_10468XM\_002871741|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cobalamin-independent methionine  
synthase (ATCIMS), mRNA

TTCCACGAACCAAATCAAATCCATAGCCAGTGACACCCTTCAAAGAAGTAAGGGTCTTGTATGCCTCAGCAGG  
GACATCAGCAAAGTATGTCTCAACAAGAACATTCAAGCCAG

>trans\_c\_10469XM\_001692698|Chlamydomonas reinhardtii component of CCR4-NOT  
transcriptional regulator complex (NOT1) mRNA, partial cds

TTTGTAGGGGAGCGTTCCGCCTTAGAGGGAAGGGTCTTATAGGCAAGGCACTTTTTCCAGTCCGATCTCGAAG  
CTTTCCACAGTACCACTGGTGGTTCGACCTTCCTATTTCT

>trans\_c\_10470XM\_002867291|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle receptor alpha subunit family protein, mRNA

AAGGGTGGTTTTCTGTCTATGTTCCAGAGTATCTCAGGCAAGGCAAGTTTGGACAAGGCAGACCTAGAACCGGCTCTGAAGGCTCTCAAGGACAGGCTTATGACAAAGAATGTGG

>trans\_c\_10471AY262821|Pinus radiata cellulose synthase (CesA2) mRNA, partial cds

TTCCACCATAGCCATACCACATAGGGCAATGCCTACTTAGAAGAATCTCCACCGAACCGAGAGCCCATCGAAGCACTTGGTTTAACCGATCTGAAAGATTAATAGGTGCAGACC

>trans\_c\_10472AY563907|Agalinis filicaulis isolate afi2 maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

TGATAAAAAAATTCATAAATTATCGACTCCATCCGACTAGTTCGGGTTTCGAGTCCCGGGCAACCCACCACGCCTTGCCGTACAGCAGCCTTACACAGAGTGCAGAAAGTG

>trans\_c\_10473AM233528|Lycopersicon esculentum chloroplast partial mRNA for red chlorophyll catabolite reductase (rccr gene)

TGTCGGAACCGTCGAAGGAAGAAGATGATCTCCTAACCCATTCTCAACGGTTTGTATTAGATACAACATCAGATCTGTATGCGCAGCCGTAGATGTGGAAACTCCATCAGCTT

>trans\_c\_10474GQ199478|Cichorium intybus ribosomal protein S7 (rps7) and rps12 genes, partial cds; tRNA-Val (trnV) gene, complete sequence; and 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

ACTCAGTGGTTACCCAGTCGAGGATTTCTTCTCTGTGGATCGAGGAGAAAGGGGGCTCGGTGGGAAGAGGACGAGTAGCAGATACCATCAACGACAGCCGACGGTTTCGGGACT

>trans\_c\_10475FJ185475|Corylus avellana isolate cav.w.F10.11 NBS-containing resistance-like protein gene, partial cds

AGAACAGACACACCTTAACAAAACCAATATTCTTCATCTCTATCTCTCTCATTTCAGCATAGAAGAGAGCTGAGTAAAAGGAAAAAAGAAGTATTGGGCCCAACCTCCTTCT

>trans\_c\_10476FJ797561|Gossypium hirsutum fiber cell elongation protein (FCEP) mRNA, complete cds

GACTGGAAGCTTGAAGATTCTGTGTGGGCAGAGCCAAACAGGGTAAACCTCAAACCTCACGATGAGCCCACTCAAAGCATCGGGAACCTTGTAAGAGGAATAAGCATGTCTTG

>trans\_c\_10477EF416280|Casuarina glauca auxin influx transport protein (AUX1) mRNA, complete cds

ATGTGAGCTTCAAAAATCATGTGATTCAATGGTTTGAAGTTCTTGATGGCTTATTGGGTCCTTATTGGAAAGCCATTGGACTTGCATTAACTGTACCTTCCTCTTGGGGTTCG

>trans\_c\_10478XM\_002318525|Populus trichocarpa equilibrative nucleoside transporter, mRNA

CCACTCTTCTTCATATGTCTTCATGGTCCCCCAATCTTTAGAACTGAGATTCCAGTGACGTTCTGACTTGTTTG  
ATGGGCCTCACCAATGGCTATTTCCACAGTGAATACGAG

>trans\_c\_10479NM\_001058222|Oryza sativa Japonica Group Os03g0815900 (Os03g0815900)  
mRNA, complete cds

GACTGCGAGCGTGGAGGTGCACCAAAGCTACTACCGATCAATTCAAGTGTGGTCGATGTGGACAGCGCAAA  
ACGACCTACTATCATAATGTCTGCGCCTCACGCCTACTTGGA

>trans\_c\_10480AF441519|Pinus taeda PtTX3080 microsatellite sequence

AATGAGCATGATTGGGTTGCTCTCTCTGAGCTAACCTCATTCTAGGTTGTTTCTGCATATCTGCTTATTTTTTCC  
CTTATTAATTTGTATTGAGAACGCCAAAACCATTTTTCC

>trans\_c\_10481Novel Gene

TGACTCCTTCGGAGCGGTCGGATCACGAACGAGAAGGCTAGGCGTAATTGAGTGTGTTTACGAGTCAGCGGA  
ATTAGAGTTGAATTCGATCTTCATTCTCCACGTAGCTCTCT

>trans\_c\_10482Novel Gene

CGAGCAATCTTAGTTATTGGTGGGGGTTTCGGTTCGTTAGCAGGTCTTTGTTTAGTCATTTCAGATAGTACTGG  
CCTTTTTTTAGCTATGCATTACACACCTCACACAAGCTCCT

>trans\_c\_10483FJ586231|Solanum lycopersicum plastidial early light inducible protein gene,  
promoter and 5' UTR

GCGCATCTAGTGTAGTGGTATCATAGTACCCTCCCACGGTACTGACCGGGGTTTCGTTTCCCCGGATGCGCACC  
ACGCCTTGGCCGTACAGCATAAGAGGCACACTCTGGCACTT

>trans\_c\_10484Novel Gene

ACCTGTTTCATGACGTGGTTGAAATCGGGCTTGAACCTAGTCGCATTCCGACGATTTGGTATCGGAAACTGAGT  
TACGAACGAGTTAATTGCTGCATCGTCTGGTAAAGCGTGCT

>trans\_c\_10485EF140885|Theobroma cacao ribosomal protein S18 mRNA, partial cds

AAAGGTTTAGCAAGGCATTTTGCAAACGCCTACGAAAAGATCGTTTGGATTAAAGAAAGAGTCGCTTGGATTT  
ATCCATGGTTTTTTTATTCCTTATCCCCTTTCTTTAAAAT

>trans\_c\_10486AL161538|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 38

ACGCCCCCGCGGGTCTCTTTAACAAGAAAACAAAAAGCGGATTAGGTATTTATGATACTATGCATAAACA  
CGTTTTGTGTGTACTCACACATACAGTTTCGGCCGGCGAA

>trans\_c\_10487AY739086|Sapria himalayana voucher 4156 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

ACACGGGGGCAAATATACTGCCGGCGTAGGGTAGGCACACGCTGAGCCAGTCAGTGTAGCGCGCGTGCAGC  
CCCGGACATCTAAGGGCATCACAGACCTGTTATTGCTCAATCT

>trans\_c\_10488XM\_002953333|Volvox carteri f. nagariensis extracellular matrix glycoprotein pherophorin-V9 (phV9), mRNA

AGCAAGTGAATCAAGAGGCAGACGTTGAGATTATAAACATGGAAAACCATGATGGCCATTTTGATGATAGCT  
CTGTCAGTTCACAAGACCATGGGGACCATTGTTGGTGATAGAAT

>trans\_c\_10489EU179393|Luziola leiocarpa voucher IRGC 82043 GA2-oxidase (GA2ox4) gene, exons 1, 2 and partial cds

AAAGGTGCGAAGCAGCTCGACTAAGAAGGAGAGGTGAGAATGAGAAGCCCTCAATCAAAAAGAAAGAACGC  
GGATTGGGAGGGAGTGCAACGAAGTGAATAAAGGGTGAAAATC

>trans\_c\_10490CT029637|Poplar cDNA sequences

AGGATGTTCTATTTCCCCACCTGACAGTGAAAGAAACATTGAGATATGCAGCTTTGCTTCGATTGCCAAATACA  
TTAACGAAAGAGCAAAAGGAAAAGCGTGCTATTGATGTCA

>trans\_c\_10491AY189103|Pseudopanax arboreus 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

TCCTCTTCAAACCTCTACCAGGAAGAATCAGAGACGAACTCCCACTGGGTGGAGCTGTACCACAAGCCAGTTA  
TCCCTGTGGTAACCTTTTCTGACACCTTCGATCCTGGGCTCC

>trans\_c\_10492AY703450|Citrullus lanatus 13-hydroperoxide lyase mRNA, complete cds

GATTCCAACCTCTGATATCCATATCCTTGAGCTCCGCCGTAGAATGTCTGTAATGAAGTTCTTTATCTTGGAGTG  
CTGAGATTCCGAGGTATCCAAATAAGCACAGACTCTCATA

>trans\_c\_10493XM\_002874864|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata TOC159, mRNA

TAAGATCAGTATCCAGCTCCCTTGGTTCTTCCATCTGGAAAAATGCCATCATCACACTCACTCATGCTGCCTCTG  
CTCCACTCACGTTGAACGAGTCAACAAGACAAGTGTCGT

>trans\_c\_10494X95859|Isoetes durieui mRNA for phosphoenolpyruvate carboxylase

TTAGGGTTTAGAAAGACATTACTATACATGGGTTTATTTATGGATCTCGACAAGTTTCATCAAAATAGCATTTTT  
AGGTCTAATTGATTGATGTGGTCTCCATCGAGCTTTATA

>trans\_c\_10495CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

CCGTCTGTTTTCTGGGTTTGAGGGGACATAAGCCCCTTGAGGGAAAGGCTCCGCAGCGCACCAAAGGCCCTCC  
GCAGCGGCTGCTTGTACTCGGGATACGCTCCGGCATTGAGG

>trans\_c\_10496Novel Gene

AGAGGATATGACAACGACTAAATCAAATTCATCAACCTTCGATGTTGAGAACCAGCGGGATGATAAGTACAA  
GATAGATCTGATGGCTCTCCACCATTACGAGCTTCTCCAGA

>trans\_c\_10497NM\_001067196|Oryza sativa Japonica Group Os07g0682500 (Os07g0682500)  
mRNA, complete cds



AACGACCAATCCCGTTCCTCCCGAGGGGAGAAACCGGCAACTTGTTCCATTCTTACAAAACCCTCTAGCGTAGT  
AAAGACAAGGCTTCCAACCCAACCCACAATTCAAATCCTCT

>trans\_c\_10498NM\_116581|Arabidopsis thaliana EMB2770 (EMBRYO DEFECTIVE 2770); RNA  
splicing factor, transesterification mechanism (EMB2770) mRNA, complete cds

AAGAGATGTATTGCTGCTGAACCCAAACATGGTGAGAAATGGCAAACAATTTCAAAGGCTGTGGAGAACTCC  
CATCAACCAACTGAATCAATCTTGAAGGGGACGAAACAAATG

>trans\_c\_10499FJ708812|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

AGGGGAGTGACACACAAAAATCTACTCTATGATCAGTCCATGATTCCAATTGCTTTGGATACTCCAAATGCTTC  
CTTAAGTGGAGAAGCACTTGAGCTTGAGAGGCTTGCAATT

>trans\_c\_10500XM\_002883548|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata peptidylprolyl isomerase, mRNA

AGAGCCGTTTGAGTTCAAAACAGATGAAGAACAAGTGATTGATGGCCTCGACAAAGCTGTGGTGACTATGAA  
GAAAGGTGAGATAGCCCTGCTGACAATGGCACCAGAGTATGC

>trans\_c\_10501XM\_002873207|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NC domain-containing protein,  
mRNA

TCAACCACCTGGACAAGGCCGGTGGCCAACCTTTGGGTCAAATCTTCAACAGGTATCTTCATCACATCCTTTCT  
CATCCCAATATCAGCAGCATATCTACTAGCACAGTACACA

>trans\_c\_10502XM\_002314503|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

ACCAATGCCTGGAGCAGTGAAGGCTGGTTTTGAAGTGGTTGTTCTGAACGGGAAGCTTCTTGTCATAGCTGGT  
TATTCAATTGCCGATGGGACTGATTCTGTTTCATCAGTGCA

>trans\_c\_10503Novel Gene

CCTTCTTCTCCTCCATTCTCACACTCTCTCACTCTCTCTCAATCTCTTCTCTTTTTCTTCAATGGCTTCCAAC  
ACCTTGATGAGAGTGTTACGGGCCACGTGGCTCCCT

>trans\_c\_10504Novel Gene

GCTTTGTGGGCACTGTACTTGTTCATCATTGGTTCAATAAATATAGTTCTAGCTCATTATATGTCATCAATTC  
CTCGGTCTAATAGCACAAAAATGCTCGAACGGTAGTTGT

>trans\_c\_10505NM\_125779|Arabidopsis thaliana RSW3 (RADIAL SWELLING 3); glucosidase/  
hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds (RSW3) mRNA, complete cds

CATCCAAGCCGTTGTTACTTGCTCTTTCCGTGTATCAAGACGGAATTGTGCGCCTCAGGATCGATGAGGATCCT  
TCTCTTGGTCCACCCACCCCTATCGGACAGTTACCCGATG

>trans\_c\_10506Novel Gene

CCAGCATATTACTTATATGAAAAAAGATACAACAAATATGTAATTAAGCAGGAAAATATCACCAGATGACCT  
CAGCTTGCAATTGTATGCTCATCTTCGTTTTTGTCTGTCCTG

>trans\_c\_10507EU096498|Cucumis sativus cultivar Jinyan 4 stachyose synthetase variant 3 mRNA, complete cds, alternatively spliced

CAAAAATCATCGCCAACTCTTCCTATGGAGTTTTGCTTTGTGCCAAGGTAGAAGAAATCATTGCATTGTTGCAT  
ACTAGAGAAAAGGCCGGTCCCTTTGAAGTTTTTAAGAAGA

>trans\_c\_10508GU732441|Malus x domestica AP2 domain class transcription factor (AP2D17) mRNA, complete cds

CCTTTCTTTATGCATCCTAAACAACCTTCGATTTGACAAACGCTACAAGTTTCAAAAACAGAGGGAGAGAAAAT  
TGCGTCGGTACTGGAAGAACTGAGGGAAGAAGTAGTCGCA

>trans\_c\_10509NM\_179581|Arabidopsis thaliana phosphoribulokinase/uridine kinase-related (AT1G80380) mRNA, complete cds

TATGTTATCCATTGATGACTTCTATCTGACAGCTGAGGGGCAGGCACAACCTGAGGGAAAGAAACCCCGGAAA  
TGCACTTCTAGAGCTCTACAGAAATATCAAGGACTATGATCT

>trans\_c\_10510NM\_001060634|Oryza sativa Japonica Group Os04g0652500 (Os04g0652500) mRNA, complete cds

AAGCTTGAGACTGAAAATGCCTATCTTGCAAGAACCCTTGCTTCTGTACAATGGAATCTTGAGTTAGAGGGTA  
ACCGGGTGTGCTGGACTTCGACAGCTCTAACTTAACCTTCTT

>trans\_c\_10511FJ533561|Solanum peruvianum cultivar T140\_b arginine decarboxylase (adc1) gene, partial cds

AGAAGGCTTCAGATCCGATTTGTTCTGGTGGTCTTGGCTTGACGCTTCTCTTATTGTGAGATTTCGGATGTG  
CTCACTCCGATGAGGTCTGAGAGGACTGATTACGGGTACG

>trans\_c\_10512XM\_002871397|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mraW methylase family protein, mRNA

GTGATGCTTGC GGAAAGTATTGGACGTATTCTCTAGTTCATCCGGAAGGCCGCTACGCTCCTTTGTAGATTGTAC  
CGTCGGTGCCGGTGGACATTCCTCAGCGATAATTCAAGCG

>trans\_c\_10513NM\_001057728|Oryza sativa Japonica Group Os03g0736400 (Os03g0736400) mRNA, complete cds

ATCCGGGTTGAGAATTTTATAGAACGAGCTGACCAACTTATTGGTACTGAAACACCATTGATTACATTAGTGT  
TACCCACCGTACACACAAGTTGATTATGGGGTACTCATA

>trans\_c\_10514Novel Gene

CATCCCAATTTCTTCCCTCCATTCCAACCCTCACAAATTCCCGTTTCCCCCTTTTGATTCTGTTGCTGAATCGG  
TAAAAATGAAAGAGAACAATGATGGGTTTGTTCGTGCG

>trans\_c\_10515AF229794|Vigna radiata beta galactosidase mRNA, complete cds

TTGGTTCAAAGTTCTCACAGTAAAATCCATTGCAGGTGTCAATCACAGGGTCAGGGGCATCATCTTGTTTGCAC  
ATCACCCATGGTACTCCAGTGTCAAGATCTAATGCCATT

>trans\_c\_10516Novel Gene

AACTTCAAGACTCATAAGTGCAGGGGAAGCAGTGAGTGGAGATTCCCCTGCAGAGAGCCGGATGAGGGGAG  
ACCTTCACGTCCGGTTCTAGAGGGCTCCCGAGAGGCTGGGAGT

>trans\_c\_10517EU252575|Glycine max gigantea-like protein 2 (GIL2) mRNA, complete cds

ACCTGAGGATCGCTCCTAGAGAAGTTGACAAGCTGAACAGCCGCATCAAGTGCATCAGGAGCCCATGAAGG  
AGGTGCTTCTAAAAGCCCAAGAAGAAGTCTTTGAGTAGCACT

>trans\_c\_10518FM212910|Pisum sativum partial PAO gene for pheophorbide a oxygenase, cultivar  
samson, exons 2-7

GATCAAAAGTGGGTAATATGGATTTGCTCCTTCAATGTGCCAATGGGTCCTGGAAAACTCGTTCTATTGTATG  
TAGTGCTCGAAACTTCTTCTGGTTAAACTCTGTCATAACA

>trans\_c\_10519AF116752|Glycine max seed maturation protein PM23 (PM23) mRNA, partial cds

TGAAGACTGTGCAGAACTTGTTGAGAATACTTCCCTCCAATTTAGCCTCTCTTAACCTTACAGATCTCAGCGA  
GTTAGATGAGCAGGGGAGTTGTACGTAGTGGTTTTACGGC

>trans\_c\_10520DQ341174|Solanum tuberosum cinnamic acid 4-hydroxylase gene, complete cds

CAACTGGGTTTCTTGATAAGCTTTGAAATTGTCCACCCTTTTCTCAAATTCGCTATCTTTGCTTACTGGGTTCTT  
TTCCCCACCTTAAGGGCGGGCTCCGCAAACGAAAA

>trans\_c\_10521Y17192|Cucurbita pepo mRNA for peroxidase

AAGAAGCCCTCCTGGCTTCGAGTCCGAGCTCAACGGACTTGGAATTTAGGAATCCAAGGACTCGAGATTGTC  
GACGCTATCAAAGCAGCCGTCGATCTCTCCGCGTTCTTATG

>trans\_c\_10522NM\_122180|Arabidopsis thaliana ATCSLA02; mannan synthase/ transferase,  
transferring glycosyl groups (ATCSLA02) mRNA, complete cds

AGAGGAGGATACAAAGCCGGAGCTCTGAAAGAAGGGCTTAAACGGAGCTATGTTAAACACTGTGCCGCGTG  
TTAACGGGGATCATATTCAGGGATTAATTCGCCGCGCCGCTTC

>trans\_c\_10523XM\_002307798|Populus trichocarpa SET domain protein (SDG955), mRNA

GAAGATGGGAATTGGAAGCAGTTATCTTTTTAGACTTGACGATGGTTATGTGGTCGATGCTACGAAGCGTGG  
GGGTGTTGCACGATTATATAAACCATCTTGTGAGCCTAATTG

>trans\_c\_10524NM\_001061733|Oryza sativa Japonica Group Os05g0324200 (Os05g0324200)  
mRNA, complete cds

GAGTCAGAATCACACTTCAGCTTCTGCCTTCCCGGATCCCCAGAACAGCCCTTCTCCACCGCCAGCCCCTATTC  
AGTAGTGTCTTCTCTCGTAGCGCTCTAGGCCACCCCCC

>trans\_c\_10525AJ635223|Pisum sativum mRNA for ftsH-like protease (ftsh4 gene)

AAACGCCATTGAAATTACGAATCCTGTTCTTCTGCTTCAGCTCCAACTCCCAGCACAAACAGCCAACCCA  
TTTCCAAAATTACAACCGAGACGATTGAGAATTTTGGGGG

>trans\_c\_10526DQ226924|Boechera divaricarpa isolate SLW-E-A08 mRNA sequence

GGTTCTTCCTGCAACCACAAAGTCCAGAAATGTTTACAATGGAGAGCAAAAGAATCAGCCAAAGACATTATCA  
ATGTAAAGGGGCAGATAGAGAAGAAGGCTTGGCCATTGT

>trans\_c\_10527NM\_001065132|Oryza sativa Japonica Group Os06g0717800 (Os06g0717800)  
mRNA, complete cds

CAGGGGGCGGCAAGACGGGTTGCTATGGTACAAAGATAGTGGACAACACTTGAATGGAGATTTTTCAATGTC  
TGTGATTCAGGCCAACAATTTGCTTGAAGATACCCTCCAGAG

>trans\_c\_10528AY128596|Utricularia pubescens photosystem II D2 protein (psbD) gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

TGGATGAGTGCTCTTGGAGTAGTTGGTCTGGCCCTGAACCTACGTGCCTATAGTCCTACCCTCTGAAGGGCTT  
ACATGATAAGGAGCTTCAGGCCAGAGTCCCTCGCGTTGGG

>trans\_c\_10529Novel Gene

AGGTGGATGAATGCTTTGACTTTATTTTTGGAAAGTCATTAAGTTTTCTCAAGAATGGAGCCAAATACAATCT  
GTGGGCATAGTTGTTATACTGACGTGCACATTCATGTTTA

>trans\_c\_10530NM\_001052286|Oryza sativa Japonica Group Os02g0126400 (Os02g0126400)  
mRNA, complete cds

AGGGAAGAAATTTTCATGACATTGTCGGTAGTGCATATTATGTCGCCCTGAAGTTTTGAAAAGGAAGTCAGG  
GCCAGAATCAGATGTCTGGAGTATAGGGGTGATCACATATAT

>trans\_c\_10531EU563474|Nicotiana benthamiana methyltransferase mRNA, complete cds

TATGTCCTTGGGTAAGTAGAGAAGCCCTCACACCAATCATGATACATGCCAACAAGACCTCTCTCGTAAATGG  
CTCCTAGAGTGTTCTTGGAAATCGTAGGCACAACATTCATC

>trans\_c\_10532NM\_001051596|Oryza sativa Japonica Group Os01g0892500 (Os01g0892500)  
mRNA, complete cds

CGGTGCGCTGAGCTGGTAAAGGCTGGCCATTAACCGAAACAGTAGGCCTTCCATTATCCGTAATTTCACTTGA  
TCTTGAAAAATCTCTTAAGTTGTTTCTACTGAGACCCACA

>trans\_c\_10533Novel Gene

CAGACGCACGTCGAGAGAGAGAGAGAGAGTGTCCTCTAGAGCTCAATATAGCCTTCTGATAAACCATATATCTG  
CTTTCTTTTTTTCTTTGTTTTTTTATTTACCAATTTTT

>trans\_c\_10534Novel Gene

CTGATCAAAGAGCCAATTTTGGAGAGATTCTTCATCGATCTAGTGGCCGGCGAATCACTGATCACCTCTATCTA  
GTAATAACTTGGTCCGTCGGCGGGTTGTTTGAACACTC

>trans\_c\_10535FJ084198|Pinus taeda isolate 5011 anonymous locus 0\_8975\_02 genomic sequence

TTGATTACAACAGTAGTTTTCTGCTCATTCTTTGAACTTTTACTTTATTCATTTTTGCATGAAAAGTGATATTCA  
ATGGCTTGACCATGAAAATGGGGTTTTACCTTAGCGT

>trans\_c\_10536NM\_001161247|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein (AT5G19090) mRNA, complete cds

AAACCCCATCGATTTTCTGCAAGATTTTCTTAACCTTCTGCTTACACCCATCACAGTGTATATTCACCTTAAGAAC  
ACATTTCTGGATCTTTAAGAACTCTTCTTACTCATT

>trans\_c\_10537AB490139|Stemona parviflora chloroplast petD gene for cytochrome b6-f complex  
subunit 4, partial cds

AGGGAAATATCCAAATACATGTCTTATTTTTCAATAATCCATATTTGCAGCAATGAAATACTCTTCTTCCCCCT  
GAGTAATCATAAATAACTAATTACAAATCTATGATTTC

>trans\_c\_10538XM\_002872788|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AAA-type ATPase family protein,  
mRNA

TTGATGTTTCTTTAGAGAGTTTCCCATATTATTTAAGTGATACCACCAAAAACGTTCTGATTGCATCCATGTTTCG  
TTCACTGAAGTGTAATAATAAACGCCCTACGTAGGAC

>trans\_c\_10539FN179404|Hordeum vulgare subsp. vulgare partial mRNA for phosphoglucan water  
dikinase (PWD gene)

CTCATGACCTCAAGCAAGAAATCAAACATACAATACAAAACAAGCTTCATCGCAATGCTGGTCCAGAGGACTT  
AATTGCCACAGAAGCAATGCTTACAAGGATAACCAAAAAC

>trans\_c\_10540DQ414681|Cucumis sativus stachyose synthase mRNA, partial cds

ATGCATTCTTATCTTTCTAAAGTTGGGATTACAGGAGTCAAAGTTGATGTGATGCACACTCTAGAATATGTCTC  
AGAGGAATATGGAGAGGAGACCTCGAGACGTTTTGTTCG

>trans\_c\_10541NM\_125012|Arabidopsis thaliana PEX5 (PEROXIN 5); peroxisome matrix targeting  
signal-1 binding / protein binding (PEX5) mRNA, complete cds

GGAAACCCACCACCGCCGACGATCAGTCCACGTCGCTCTCCGGTACCACGTCTAACTCCAGTGGAAAAGCTCA  
TGTCTGTAATGTTTGTCAACAGCAAGGGGTGACCGGTG

>trans\_c\_10542Novel Gene

GGATAATGGGGGTGGGTGTTGGATTACATTGAAAGGGGTGGTGGGATTATTATCCATATCGGAGAAGAGA  
TTGAAGATAGGTAAGAATTCTTCTTGATTAAGAAATGGGAAA

>trans\_c\_10543AF305876|Zea mays ribulose 1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase activase  
precursor, mRNA, partial cds

CGACAACGGTACCGTGAGGCGGCTGACATAATCAAGAAGGGGAAAAATGTCCTGCCTCTTCATCAACGATCTTG  
ATGCAGGTGCTGGTCGTCAGCACAGCGTTGAGACATACAC

>trans\_c\_10544AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

TCTTAACAAATTAGTATTTGCAATTCGGAGGGTCGTTCTAGCTCTATACGAAATTCTTGATTAATAATAAGATA  
AATCAATTTTGGGGGGAAGTCCATAGATAAGCCGAATT

>trans\_c\_10545GQ406388|Oryza sativa Japonica Group dwarf 88 esterase (D88) gene, complete cds

TCAGAGTAGAGAGGTTGTCACCGAGAAAGAGCACGGCGGAGTTTCCGCACGAGTAGCTGAGGGGCACTGAG  
ATGAGGTAGGTGGCCTTCGGTGTGCGAGCATCTCAATGGTGTT

>trans\_c\_10546AB271016|Ipomoea batatas mRNA for ADP-glucose pyrophosphorylase beta subunit  
IbAGPb3, complete cds

CGGGGTCACCTTAGGAGATGGTTTCGTTGAGGTTCTAGCAGCCACTCAAACCTCCAGGAGAAGCCGGGAAGCA  
GTGGTTTCAGGGGACCGCCGATGCCGTACGACAGTTCCATT

>trans\_c\_10547X76055|N. tomentosiformis DNA for external transcribed spacer regions

GAGAGCTCTTTCTTGATCTCGCAAACACACCACGTACCGGCAGAGGCTGGTTGTTCTATCGGGTGAGTTGGCC  
GGAATGGCCATCCATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCT

>trans\_c\_10548CP001334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 16, complete sequence

TCTGGGTGGAATCTTTTGTCTGAGAAAGAAGGACTCAATGTCAACACATCCTTGGATGTCGGAGACTCCGTT  
GCGTCACCAAGGGATACAGCCGTTTCCCCTCTTCAACTTA

>trans\_c\_10549XM\_001691979|Chlamydomonas reinhardtii CREB-binding protein  
(CHLREDRAFT\_145462) mRNA, complete cds

AGAGAGGGGATGGGAACACCGAATCCACCCTTTTGTAATTCGGGATCTTGTTCTCTCTTGGTTATGTTACTGT  
GTAGAATTTGAGTTTTCTTTTCCTTCAATCACTACAAG

>trans\_c\_10550NM\_103848|Arabidopsis thaliana ATRBP47A (Arabidopsis thaliana RNA-binding  
protein 47a); RNA binding (ATRBP47A) mRNA, complete cds

GGAGCAAAGGTGGTTATTGATTCAAATTCAGGTCGTTCAAAGGTTACGGCTTTGTCAGGTTTGGTGATGAAA  
ATGAAAGGACAAGGGCTATTTAGTCCCGTCCGTTTCGCGC

>trans\_c\_10551AF100769|Zea mays receptor-like kinase (ZM2ARK) gene, partial cds

AGATTTTCATCTGGAACCTGTCCGTTGGTTAGATGTAGCAGATATGTGGACAAACATTCGATGGAAGCTGTATC  
ATCTTGATCATAGTTATGAAAGCATGGCTTTCTCATCTA

>trans\_c\_10552AY769830|Amomum sp. Wilkie et al. 29016 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2,  
complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

CACCCGGGCACGCCACTCAACAGAGCTACCAGCGAAGTACATTATAAAAGCTTATCCAAGTATCTCTCAATAT  
GCAAAGCGTTAGCATCCGCAGGGACCATCTACCCGGCTTT

>trans\_c\_10553XM\_002874847|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

GGACCACCCCCACAATACAAATATCGATATGTGCTAAATGATAACCAATCCGGTTGGACTTTTGTCTTCTTCA  
TCTCAAGGAAAATGTTTTCGGCAGCTTCAGCGTCGTTTT

>trans\_c\_10554EU236699|Coptis chinensis S-adenosyl-L-methionine:3'-hydroxy-N-methylcoclaurine  
4'-O-methyltransferase mRNA, complete cds

AGATTAAACGAAGGAGATGAAAAGAACAAGGATGTTGAAGATGGCAATGGATCTTTGGTTGATGAGGCCAGC  
CCTTTTGTGGGCAGTGGAAGGGGAAGGAAATCTCACCCGCA

>trans\_c\_10555X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

GAACTCAGAAGGTCCAAAATCCACCCACAAACGCGCTGGAGGGCGTTCTTCTCCAGGACCTCGGTGCAGCT  
CTCAGATATGGAGTTGGATGAATGTGAACTCTGGTGAGTG

>trans\_c\_10556BT008882|Arabidopsis thaliana At4g33080 mRNA, complete cds

AGCTGAGATCTTTTGGAGTCAATAGCATCTTCCTTGACGGTCTGAGCCACGTTTTCTGGAATAGGTGGATCC  
AATTCATCAAATTCATAAAGTTCTGAGTATCGAGCTCT

>trans\_c\_10557FJ594399|Glycine max acetohydroxyacid isomeroreductase mRNA, complete cds

CATGGGTTTCTTCTTGGCCATTTGCAATCATTGGGGCTTGATTCCCTAAGAATATCAGCGTGATTGCTGTTTGT  
CCAAAGGGGATGGGTCCCGAGTGTCTTCTCAGGGCGTG

>trans\_c\_10558NM\_123012|Arabidopsis thaliana serine-type peptidase (AT5G36210) mRNA,  
complete cds

CATGATTCTGCTCTCGACCCCTTACTCCAGATTATGGTGGACCGTTGGTTAGTTATGCTGATGGAGTGTTTGA  
TTTATGTTTCAATCGTTATATCGCTGTACGGGAAGATCG

>trans\_c\_10559NM\_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,  
complete cds

GAAAACATGCCAATGCCCTGGGAGCAGGTTCTGTATCATATTACTGGAGCAATCACAT  
TTGTTAATGAAATACCATGGGTGGTTGAACCTATATATT

>trans\_c\_10560AB055511|Betula platyphylla OSCBPW mRNA for lupeol synthase, complete cds

AGATGCACAGTGAAATGCGGAGACAGTGAAGTTGTAGAGAAATCCAGACGTGATGGGCTTTATGTTGATAAA  
CAAGGAAAATTTAGAAGCTTCAATCGCAAAAGATTGTCCCT

>trans\_c\_10561EU586191|Malus x domestica cultivar Fuji F-box-containing protein 1 mRNA,  
complete cds

GTTTCGTCGTGTAACCTGGACAACCCTCTAAGTTCAGTAGTGAAAGCTTGTGCAGTCCTTTCAAGTAGGCAATACC  
AGCATCTGTGACCTTACTGCATGAAATTTGCAATCCTTT

>trans\_c\_10562AB193039|Nicotiana tabacum NtTOM1 mRNA for tobamovirus multiplication 1,  
complete cds

AGAAAAAAGAAGCCCAGGAAGTTCCAATAATAACAATAGAAAAACCTTTGGTTGCAAAAGAAACACTTGAT  
TGTGGAGCCCAAACACAATTGCACGTACTCCATTGACAATG

>trans\_c\_10563NM\_001072263|Oryza sativa Japonica Group Os11g0145500 (Os11g0145500)  
mRNA, complete cds

GGTCAGACCTTGATGCTGCGACTCAGGCATTACTCAACGAGAACATGGAATCCGTGAGGACTCCAGGGTGGG  
TGTGGCGCATGTTGTCAGGTGCCAGGGGGTGGGCCTCGACT

>trans\_c\_10564AF161718|Triticum aestivum Sec61p (sec61) mRNA, complete cds

TGCGTGTGATCCTTGCTTCCAATCGTGGTACTGTCATGGAGCTTGGGATCACTCCCATTGTCACATCTGGGATG  
GTGATGCAACTCCTCGTCGGGTCCAAGATGCGTGAAGAG

>trans\_c\_10565NM\_179596|Arabidopsis thaliana nucleic acid binding (AT2G02570) mRNA,  
complete cds

ATTCCCAGCACTTCTTCTACGCGGTGCGCTATCATTTTCATCCCCAAATGTTGTTCTCAATCTCAATCGATATTT  
TGCAACGTCAAGGTGAAGAAGGCACTTACTATGGGAT

>trans\_c\_10566Novel Gene

AGATGAATTTACTGCTTCAGCTTTAGATGACAAAACCTTGCATGAAAGTTCACAGGTATCAGCAACAGATGTT  
GTAGGTAATCCAGAGGAACGCCCTTCAGGTTCCCCGCCTT

>trans\_c\_10567NM\_001123987|Arabidopsis thaliana TOR (TARGET OF RAPAMYCIN); 1-  
phosphatidylinositol-3-kinase/ protein binding (TOR) mRNA, complete cds

TGATGACAGTTCCTCAACCAGTTTCAGATCTTTGTGGTTCATCTCTTGTGCAGCTTGCATTGCAAACACTTGCTC  
GTTTTAACTTCAAGGGTCATGAGAGAGAACTCCCCTAG

>trans\_c\_10568AF216497|Gossypium hirsutum P-glycoprotein (CMDR1) mRNA, complete cds

AGCTGGACCTTAAGTGGTTTAGGCAACAAATTGGTTTGGTCAATCAAGAACCTGCCCTCTTCGCTACAAGCATT  
AGGGAGAACATTCTATATGGAAAAGATGATGCTCAAAGA

>trans\_c\_10569GQ435991|Momordica grosvenori voucher PS0464MT02 RNA polymerase C (rpoC1)  
gene, partial cds; chloroplast

AGGGGCATCCCGTATTGCTAAATAGAGCGCCTACTCTGCATAGATTAGGCATCCAGGCCTTCCAACCTATGGG  
CTGTTCCCCTGCACGATAAACAAATGTGAACGGCTGTTGT

>trans\_c\_10570XM\_002880682|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alpha-vacuolar processing enzyme  
(ALPHA-VPE), mRNA

TCATATCTGGGTACTGATCCTGCTAATGAGAACAACTTTTGTGCGAGGAAAACCTTGAGGCCAGCTACAA  
AGTTCACCAATCAGCGTGACGCTGATCTGACTTGGAGAGG

>trans\_c\_10571XM\_002875053|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata atmap65-6, mRNA



TAAAGTCACCAACTTTTCATCTGGGCTCAAGGAAGGATCAATTAAAGCTTCTATTGCTGCAATCGACTTACTGA  
GACATGCAGTTGTCGCACGGTCTTCGGAGAGACGACCAC

>trans\_c\_10572HM118619|Ensete ventricosum cultivar ensete non-phototropic hypocotyl 3-like  
gene, partial sequence

GTGGGACAACTGTTGCTGCCACTGCTTGTGTTACTCGTAGTGCTGGTACTTCCTTCATCACCGGCATTTGTTGC  
GTCGGTTACCAAACCAGGAAGCCATTTTGATGAATAATG

>trans\_c\_10573AY924306|Catharanthus roseus secretory peroxidase (prx) mRNA, complete cds

TGTTTCCCTTCTCCACTTTCATCATTTTCTTCAGTTTCTCACTATCAATTGTTCTTTACGGAGGATATTTTTCCCC  
CTGAAATCCGGAGCTTGATATGGCCGGGGAGAAAGA

>trans\_c\_10574XM\_003083878|Ostreococcus tauri Putative RNA methylase (ISS) (Ot17g01660)  
mRNA, complete cds

AATACGACATCAAACGAGGCCCAATTGTTGTCGCTTGTAGAGTTCACTGTGTGCGTTATCGGTTGTGGAGCAG  
AACTTTGTGGTGGCTGCGGAACTGCAGAAGCAATGGGTTC

>trans\_c\_10575AB190368|Pyrus pyrifolia PpGAL7 mRNA for beta-D-galactosidase, complete cds

AGAAAGATGGAGGAGCTGCCTGTACAATTTCTGGGTAAACCCTTGCAATTGCCATCTTGAAAGGTCCATTATC  
AGTTCTAAAGCTAATTCCAGGAACATACTTAACCAAACG

>trans\_c\_10576Novel Gene

AGGAATATCTTATCGAGGCAATTCATAAACGAAGCCCTCTATGCGATAAGTCCGTGAACTTGGGCGAACCTAG  
TGTAAGCTCTGTTTAGCTTCGCAAGTACCTTCGTATGTGGT

>trans\_c\_10577AB304458|Phaseolus vulgaris PvGAI2 mRNA for DELLA protein, complete cds

GGAGGATCGTGAAAGGAGATTGTTCTTCAATGTCGTCTGGAAACTCAAGATGTGGCACCTCCAGGAGGAGG  
AGGCCGGGGAGGATGCCAAAGACGGCGCCCGGCCCAAGGAC

>trans\_c\_10578NM\_001057597|Oryza sativa Japonica Group Os03g0712200 (Os03g0712200)  
mRNA, complete cds

CCAAGGGAAAGGGAGTGTACCACGGGTGATCACCTGCATTCTAACCGTGATCGTTGGCACTGAAACGAGCAT  
CGCAACCTCAGTTGAGAACCAGTTGTCGTGAGCGTGTTG

>trans\_c\_10579NM\_001125436|Arabidopsis thaliana ubiquitin thiolesterase (AT4G01037) mRNA,  
complete cds

AGATCAGAAATGAGATGGAAGGTTTGTGGTTATTAAGCTTAGGAAGCTATTGATGATGTCTGCTGATAAACG  
AATATTGTTGGAGAAGATTGCACATTTGATTGATCGGGA

>trans\_c\_10580Novel Gene

GTCTGATTAGCTAGTTGGTGAAATGAAAGAAGTTCATCACTCAATTTCTCGATAGTTCTTGCTCAGTCTATCTT  
GAAGGAGACCTCTCCCCGAAAAACACCTAGAATTTCT

>trans\_c\_10581FJ708669|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-RLK) mRNA, partial cds

CATTCTTCTTGGAGATGATATGAGAGCTAAGGTTGCAGACTTTGGTCTTGTCCGTCTAGCACCAGAAGGTAAG  
GGTTCTATTGAGACGAGGATCGCCGGGACCTATTAAATCC

>trans\_c\_10582XM\_002889837|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATRBP45B, mRNA

GAGAAGCGACAAGATGACTCTCCTGATTACACTATTTTTGTGGGAGATTGGCTGGTGATGTTACTGATTATG  
TGCTACAAGAAACATTTAGGGCACGCATATTGAGCTGGCG

>trans\_c\_10583AY133597|Arabidopsis thaliana AT3g55400/T22E16\_60 mRNA, complete cds

CCAGTATTTGGCTTTTGGTCTTTTAGCATATTTAGAGGACTCTGTCGTTTTTGACGCTTTTCTGTGTTATATTAGT  
CTTTTTTTTCTATTGCCGGACTTGGCATATCTTGTA

>trans\_c\_10584X67028|P.hybrida mitochondria genes rps19, Yrps3 and Yrpl16

AATGCATGAATGTTCTTTTGGGAAAATGTAAAAGAATACACCTACCGAGACGAAAGCCAAAGGTCAGTCTCTC  
CGGTGGACGTATCGAACCGAAATAAGATCTCAGATTGACA

>trans\_c\_10585NM\_179825|Arabidopsis thaliana VAR2 (VARIEGATED 2); ATP-dependent peptidase/  
ATPase/ metallopeptidase/ zinc ion binding (VAR2) mRNA, complete cds

GCGTTCATCTGGAGGGATGGGTGGTCCTGGAGGGCCTGGGTTTCCTCTTGCATTTGGTCAATCTAAAGCAAAG  
TTCCAAATGGAACCGAACACTGGTGTGACTTTTGATGATG

>trans\_c\_10586NM\_001188950|Oryza sativa Japonica Group Os09g0468700 (Os09g0468700)  
mRNA, complete cds

ACAAAATACGCATCAAAATCCAAAGCCTCTTCAGCTGATATTGAAGTCACTTTGATTGAAACTCATGCAAATCT  
TAGAATCCTCTCAACAAGAAGCCATAGACAACCTTGAA

>trans\_c\_10587XM\_002878472|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2221, mRNA

TGATGATGGTGAAATCTGCATATGGGATTTAGCCAACCCATCACAACTATTCAATTTCCACCTCTGAAGGGTA  
GTGGCTCTGCAGCTCAGGGCAGGGCACTGCCTCCGTCAT

>trans\_c\_10588GU722210|Hordeum vulgare cultivar Miho Hadaka bell-like homeodomain protein  
(Bel2) gene, complete cds

CCCTGCGGATGCTAACGCTAAATACGTTGGCCTAGCAGAAACACGGCTCTTTGGGCCCGCCGAAGGGAATT  
CTCGCCGAGCAACTCCTTTAGGTTTCGGAATATAAACCATC

>trans\_c\_10589NM\_112204|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7D) (AT3G13580)  
mRNA, complete cds

AAAGGAGTATGAAGAGCAGGAAAAGGAGCTGATTAGACTGAAACGTGAGGCAAACTAAAAGGAGGATTTT  
ATGTCGACCCTGAGGCTAAATTATTGTTTTAGTGAGCGTTCC

>trans\_c\_10590NM\_123604|Arabidopsis thaliana metalloendopeptidase (AT5G42390) mRNA, complete cds

GACGAGCAGCTGAAAGCCCTGACTCACAAGGAGCTGTTGTAGTCGGTGTTTGAAGTCTCAGTGAGGGAGGTC  
GTGTAGGAACCTTTTCACGGGAGCAGGTGGAACCTTTTTTGC

>trans\_c\_10591Novel Gene

CATGGCGACTCGGACAACAGTCTTAGTGGAAGTATCTTTCACTTTTAAGACTTTTTGCCGATGTTTCGTAGCCA  
CGGATCGTCCGTGCCTCCCTCCCTTTCTGAGAGGGAGAT

>trans\_c\_10592AF033581|Cucumis sativus ACC oxidase 1 (Cs-ACO1) mRNA, complete cds

ACAGACCGGGAAGTCTCTGATTTACTCTGCGAAAATCTCAACCTTCCAAAATCATATCTGAAAAACGCTTT  
CCACGGATCCAACGGCCCAACCCCTAATGTGGGGACTGA

>trans\_c\_10593Novel Gene

CTTGTAAGAATATGTAACGGGGACCAAACTTCCTTCAGTTCACGACTTTCTGTTTTGAAACCTCGTCTTACGAA  
GTACATCGTAATAATCAAAGATGATATTTTTTTCCCCC

>trans\_c\_10594AM746200|Nicotiana tabacum partial mRNA for glutamyl tRNA Reductase (hemA gene)

CAATAACGATGCAACTCAGCACCTCTTTGAAGTTTCTGCGGGTCTTGACTCTCTTGCCTTGGAGAAGGTCAAA  
TTCTTGCTCAGGTGAAACATGTTGTTAACTCACACCA

>trans\_c\_10595AF188678|Pisum sativum P72 DEAD box protein mRNA, complete cds

AGTCCAGCATGCGATCTGCCTCATCTAGTACAAGATAAGAAACCTGATGCAGACTGATTCTCCTCATCTCAAGA  
ATATCATTCAAACGACCAGGAGGTGCAACTACAATATCT

>trans\_c\_10596XM\_002875811|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata bundle-sheath defective protein 2 family, mRNA

TTCCTTTACATTGTGAGCAAAGAACAGCACCATTTCCATCGCAATCGCCACAAATCACACTATTAGGTTTGTA  
TTCCGATCATTCTTAGCTGCCTTGAGAATTAGATGAGGA

>trans\_c\_10597FJ945320|Populus balsamifera isolate WHR03 locus 292079 genomic sequence

AAGGCTATGGATACCATGACCGATCACCATCTCGAAAGATTCTTCTTTCTAAATTACTTCGCGTCAGCGGCGGG  
GCCTTCAAGCATCCGAAATATGCCGGAGTTGTAAATGAC

>trans\_c\_10598XM\_002882496|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata SET domain-containing protein, mRNA

CAACATCCACTCTCTGAATCGACATCTTCTGGTCAGGTAAGCCAGACTCCGACAACCATTTCTGAAGAGCAGA  
AGCATTCTCCAAGGAATCGATGTCGCAACCCCATGGAATC

>trans\_c\_10599XM\_002871600|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acid phosphatase, mRNA

TGCCACAAGGTAATCCGGCAGCAATACGATCGATATCAATATTGGTCTTACCAAGGGCCTTTGCTTGATCATAA  
GGTAGAATTATGTCGTACAACTTTTCTCGGTAATCTCT

>trans\_c\_10600XM\_002302525|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

TGAGCTACTTGGCAGGGTACAAAGACAAGAACTGATGCTTTGTTCTACATATGTGTTTCTCATGTTCAAGTTA  
TCGGGCGGCCATTGTCGCCTGCGGGCGTGTGGTCCGCAT

>trans\_c\_10601AY093777|Arabidopsis thaliana AT3g18190/MRC8\_18 mRNA sequence

CAATACTCGACACTGCTTGCTCCGCTTGCTGTTGATTCTGTGCTCTCGGTTGTTGATCCTGGTAAGCCAGATTG  
GTTGATTTGAGAGATATTAAGATTGTGAAGAAGCTGGG

>trans\_c\_10602NM\_116077|Arabidopsis thaliana tRNA synthetase class II (G, H, P and S) family  
protein (AT3G62120) mRNA, complete cds

AAGAAAATGAAAATCAAGAACTGTTATTTTCCACTTTTGTATCTCCTGGCGTCTTACAAAGAGAGAAAGATCA  
TATTGAAGGTTTTGCTCCTGAGGTTGCTGGGTGAGAAA

>trans\_c\_10603EF587243|Zea mays plastid high chlorophyll fluorescence 136 precursor (HCF136)  
gene, complete cds; nuclear gene for plastid product

GAAGAGGCTTGGGCAGCTGGGGGAAGTGGAGTACTTTTGAAAATACAAATGGTGGCAGGTCATGGACCCG  
TGATAAAGCAGCTGACAATATGTACTTTGTGTACAGTCAGTG

>trans\_c\_10604NM\_001061297|Oryza sativa Japonica Group Os05g0169400 (Os05g0169400)  
mRNA, partial cds

ATGCATAATGATCAGGTTGTCGTTGGAAAGTTTGTGTCAAATCTCACAAAAGTGAATATGACAAGTGGTTTGG  
AAATTAAGGCTCCTCGTCTTGTGTATGGAACGGCAACTCG

>trans\_c\_10605AF289387|Sonerila nervulosa NADH dehydrogenase subunit F gene, partial cds;  
chloroplast gene for chloroplast product

TCTCAGAAAGTACTACTAATTGAAAAATAAACTGTATTGTTTTGGTTTATTTTATAGATCGTTCTGCAAACTT  
TTTTCTTTTATTTTGTGCGAGAATTGGGAGTTCCTATC

>trans\_c\_10606EF464477|Ligaria cuneifolia 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TCCACGCAGACTGTTGTCCGAGTCGCCATGCCTGACGAAGGGTCGCAATCTCAACTCCATATCTGATCCATAG  
ACTTTCAGATCAATCATCACTGCCAACACGATCGGACTAT

>trans\_c\_10607AB263748|Ipomoea trifida DNA, self-incompatibility (S-) locus region, haplotype:S1

AGGTGACTTCACTGAACAAATTTGGTTGATATGGGAGCTAATCAAAGCGCCATTGATAGTTCCTGTGTTGAGA  
TTAATGGTTTATATCTCGCCAATGGCACTCTCAGCACCCC

>trans\_c\_10608EU373019|Gossypium hirsutum gland development related protein 27-like mRNA,  
complete sequence

AAAGGAAATTGGTTCATACAGGAGAAGAGCTGTAAATACTTGCGCTGATAGTGAGTGCTAGACCGAAAACT  
CATGATGGAAGTTTTGCAAATGATGATGCCTCGTCTCATGA

>trans\_c\_10609GU451708|Gossypium hirsutum 14-3-3f protein mRNA, complete cds

AGAGTCGTAAGAATGAAGAGCATGTTGTTCTTGTTAAGGATTATAGATCAAAGGTTGAGTCTGAGCTTTCCGA  
TGTCTGCGCGAGTATTTTACAGCTTTTGGACTCGAATCTT

>trans\_c\_10610CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

CGACCGACAATCATTCTGCAGCTTCGTCCTTCATTCCGACATCAAACCTTACCGCACCACCCTTCAAGTCTTTCA  
ACTGCCAGTACTCTTCTGGCCATGGAGCCATTGGATTG

>trans\_c\_10611NM\_001060708|Oryza sativa Japonica Group Os04g0664900 (Os04g0664900)  
mRNA, complete cds

TTGTATTTTCCCTACCTCTTCAGAATCGCGAATGTAGTCGCCGACGGGGGGAAAGAGGAGGGAGGGTCGCC  
TTGGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGAGACGTCTTCACCC

>trans\_c\_10612NM\_123142|Arabidopsis thaliana OXP1 (OXOPROLINASE 1); 5-oxoprolinase (ATP-  
hydrolyzing)/ hydrolase (OXP1) mRNA, complete cds

CAATTGGAACGCCCCAGAAGCAGTTACAGCGGCAGCAGTATTTATTGCCTCCGGTGCATGGTGGATGTCGAT  
ATTCTCTCAACCAAGGCTGCTTGGCTCCTGTCAAGATAT

>trans\_c\_10613BT008387|Arabidopsis thaliana At1g56560 gene, complete cds

GTACACCAAAGCAAATGAAGCTATTCTAAATCTTATTGAAGCTAAATGGAGTGATCTTGTGGGTCATATGCC  
TCTTAAGATATGTTACCCTGCTCTGGAGTATGAGCTGCAA

>trans\_c\_10614Novel Gene

CGAGTCAACTTCTAACCTATAGTAGTGAATAGTGAGTTATCTTCCCCTTGGTTACGGCAGATTTGGAACATAG  
AACTGGGTCGGGTCGATCGGCTGAAGCAAGATCTCTTGT

>trans\_c\_10615NM\_001189255|Oryza sativa Japonica Group Os10g0454200 (Os10g0454200)  
mRNA, complete cds

CTTTTTCTTCTCATCTACTCACACTTCCCGTCTCCTCTTCACTACCCGCACTCCTTTTCCGATCCGCTGCCACTT  
CAGGAGGGGAGGTTATCTAGTTTCCTTTTAAGTGGT

>trans\_c\_10616NM\_112559|Arabidopsis thaliana glycoside hydrolase family 28 protein /  
polygalacturonase (pectinase) family protein (AT3G16850) mRNA, complete cds

AATCCCTTGCCTTCATATGGGAGAGGTATTGAAGTTCCAGGAAAACGATACCGGAGCTTGATAAATGGCTACA  
ATTTACAAGATGTTGTAATAACAGGCGATGATGGAGTCAA

>trans\_c\_10617U12926|Glycine max williams alpha galactosidase mRNA, complete cds

GAAACTGCGGATGCACTCGTTTCTACGGGTTTGGCTGAGTTAGGTTATGTGTATGTCAACATAGATGATTGCT  
GGAACACTCAAAAGAGAGACTCAAAGACCGGCCTGGAGAA

>trans\_c\_10618AB178471|Triticum aestivum Taxi-III gene for xylanase inhibitor, complete cds,  
upstream region

GGTTTAACCGCCAATAACCGAACCGCCACTTTGGTAGGCGGACGGCCACGAAGACAGGGATCCTACGCGGCC  
TGGGGGGATGGAGATGATGGACTTGGACGGGCGGGATACGA

>trans\_c\_10619EU436653|Vitis riparia genotype PI588259 phytochrome A (PHYA) gene, complete  
cds

CCAGTGACTTTTCATTTGCGGGACATTGCCTCGTGGCTTTCAGAATATCACATGGATTCAACAGGGTTGAGTACT  
GACAGCTTGTATGATGCAGGATATCCTGGAGCAGAACGA

>trans\_c\_10620AB070892|Pisum sativum sdh4 gene for succinate dehydrogenase subunit 4,  
complete cds

TCGGGTCATTTCTTGGTGAACATAATCTGCCATAATCTCTCGAACCCCTTCTCTCGGAAGAGCCAATAACATC  
GATCATGAATAGTCGCTTCTCTCTCTCCCCTCTTTGT

>trans\_c\_10621AB438994|Cardamine resedifolia PHYE gene for phytochrome E, complete cds

AACGAGATGCCCTCATCTTGGTCTTTACTCTCTCTCTCAAAACATTATCAAGGCTCTTGCTGCGAATTTCTTCT  
CATATGTTAAAAATGATTAGGATGTGACTCAATGGAC

>trans\_c\_10622XM\_002892070|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata lipase class 3 family protein, mRNA

GGCTGAAGAATTAGAAGCTCGCCCATAGGAGCATACAACAATTTCTGGTTCCTTAAACATGGATGATTCTCTGA  
AGTTCCCATTGACCGCTTTAAGAAGTTCTGCTACGTGGTT

>trans\_c\_10623XM\_002893561|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATINT2, mRNA

AACAACATCTCACTCTCCATTAGTTAGAACTACAAACACTCCACTTAAAGCTTATACATGCCCTGACTACAGCTC  
TGCCGGCAATTCTGCTTCTTGGGATTGTATGAAGTGTT

>trans\_c\_10624AY643520|Acacia mangium CesA2 mRNA, complete cds

CATGGGGCCCAATGCCTGTCAAATATGTGGAGACCATGTTGGGAAGACCGTCGAGGGTGAGCCATTTGTTGC  
TTGTGATGTTTGCACATTTCTGTGTGCAGACACGTACACG

>trans\_c\_10625XM\_001785718|Physcomitrella patens subsp. patens histone H1 linker (HON1502)  
mRNA, complete cds

GACAGTCTCAGGTAGAAAGTGTGTGTTCAATTGTTGAAGTGTCTATGGTCGTGATTGATCGATAAGTTAAAG  
CTTATAGTTATGTATTGTTGTAAAAGGATATGTGTGTCTC

>trans\_c\_10626L39436|Antennaria neodioica chloroplast NADH dehydrogenase (ndhF) gene,  
complete cds

AGTGAGACAAAATCCTTTCTTATTATGAGGTGTGCTGTGTGAGCCTTTTGTTATTTGCATTGTGCCTGAGATAC  
TGTAATGTGTTGCTACTTGGCAACCTCTGTGAAGTGTAAG

>trans\_c\_10627AY108878|Zea mays PCO067764 mRNA sequence

CTCGACCAACCGCTCTAGTGTTTGCCAAACAGTAAGTTTACACAGCTGCAGACATTGAATATAAGGGCGCACA  
ATACCAGCTCTTAACCACTATAGTTTTGTGGTTCAAGATA

>trans\_c\_10628FM992572|Mesotaenium chlamyosporum chloroplast partial 23S rRNA gene, strain  
M 2155

GTGAACCAGTACCGTGAGGAGGGAATAAAAAGAACCCCTGTGAGGGGAGTGAAATAGATCCTGAAACCGCA  
TGCATACAAGCAGTGGGAGCCAGAAGTGTGTGTGACACGCAC

>trans\_c\_10629NM\_001053085|Oryza sativa Japonica Group Os02g0278700 (Os02g0278700)  
mRNA, complete cds

ATCTTCGCTCAACATTCACCCATGCCACCACCGTCTTTCTCCGTTTGGGAAGCTGTACACCCAAAAGGGGTTAG  
TTCGATGTCTGAAAAATGATGAGAAGCCGATTGGACTCG

>trans\_c\_10630AY106418|Zea mays PCO154787 mRNA sequence

CTTGTAACACTTGGCTATGAAAAGAAAAGCAATCAAGTTTTTGACACTCAGGATCGCCAAGAGAAAAAAGAAA  
AAGTGTACATGACCGTAGTTCAAATTGTCTGGTATCCATC

>trans\_c\_10631Novel Gene

TGATTGATTGTTGAGCCTTCAGCACATAACAAAAACCTAAGCTATATGAATGCCACTTGTTGTAATCCTTCAG  
TTTTTCCCAGACTTTCTATGTGGGGAAGCTTTCAACCCC

>trans\_c\_10632XM\_002320147|Populus trichocarpa GH3 family protein (GH3-13), mRNA

ACCAATCTTTGTATTGCCATCTCTTGTGTGGGCTAATCTTCCGGGATGAAGTTGAGTTTGTGTTCTCCACTTTTG  
CACACAGCATTGTCCGCCTCCCTGAGGTCCTTGAGCAG

>trans\_c\_10633X57164|T.aestivum nad4 gene for NADH-ubiquinone oxidoreductase chain 4

GGAACCTACGGGTTTTTAAGATTTTCAATACCCATCTTTCCCGAAGCGACACTTTGTGCCACTCCTTTCATTTAT  
ACTCTAAGCGCGATTGCTATAATATATACTTCCCGAGG

>trans\_c\_10634AB252057|Brassica napus gene for 16S rRNA, partial sequence

GCAGCCGCGGTAATACGTAGGGTCCGAGCGTTGTCCGGAATTACTGGGCGTAAAGAGCTCGTAGGTGGTTTG  
TCGCGTTGTTCTGTGAAAACACAGCTTAAGTGTGGGCGTG

>trans\_c\_10635Novel Gene

GTAGGTTAACTCCCAACTGACGGTTATTACATAGCGAGACCTGTCTCATTGATAAGGGCTAAGTCAAAGAT  
GGAAGTAGGAGAGGCGCGAAGCGACCTTTGATCCACTAAG

>trans\_c\_10636M75856|P.vulgaris PVPR3 protein mRNA, complete cds

AAACGCGTTGGATTGACTGGATTGAGATGCCGATGTGGTGATTTGTTCTGTGCGGAGCATCGGTATTCAGATC  
GTCGCAGCCACGATCCTAGCCGCGGGATAATCAACATGTC

>trans\_c\_10637AB554221|Glycine max GmGla mRNA for GIGANTEA, complete cds, cultivar:  
Moshidou Gong 503

TGTGAACTGCAGCTATTTCCATTGATGTCACGGGGAAGGAAGCGTTTGAGTTTTAAAGTTCGCAAGATATAG  
CTAAGTTAGTCAAAATAAATGGATCTTCTTTGGGTCCTG

>trans\_c\_10638XM\_002973701|Selaginella moellendorffii GRAS family protein (SHORTROOT\_2),  
mRNA

GTAGTCTAGGTCGCCCAGATCCATTCTTCAAAGCCTCCGATGTAGTCCCGATCACATAAAGAGAGAAATGGAAA  
GGGTTGAGTGGATCAGAATTAGGAATAGCTGCAGCTTGTA

>trans\_c\_10639XM\_002315211|Populus trichocarpa metal tolerance protein (PtrMTP11.1), mRNA

AACGAGATAGTCAAAGCATATGCCCAAGATCATTTCTTTGATGTAGTCACCAATGCAATCGGCCTTGTTGCTGC  
TCTCCTTGCTAATATATATCGACGCTGGCGATCAAAGA

>trans\_c\_10640NM\_001069835|Oryza sativa Japonica Group Os09g0444800 (Os09g0444800)  
mRNA, complete cds

GGATTTGGCATAACAATGATGCGGAAGGGGATACTAGTCTTCATGGTGC GGCTGTCACGGCTCATGTCCCTTT  
TTCTATCAGCACCAAGCGTGTGTTTGATTCCGCTGTTGA

>trans\_c\_10641AY231146|Ceratopteris richardii alpha-tubulin (TUA1) mRNA, complete cds

ACCCATTCGCTTTTGGAGCACACCGATGTTGCAGTGCTACTTGATAACGAAGCCATTTATGATATCTGTAGGCG  
TTCCCTCGACATTGATCGACCCACCTACACTCCAAGAC

>trans\_c\_10642GQ202243|Zea mays cultivar BapNu 40 microsatellite sequence

GGAATACCCTTCTGTTTTCTGTGATACGAGTTTTTTGGCTTTGAAGTACCTAAGAAATCCTTTGTTTTCTTG  
GTTTGAGCCCCCCCCCAAAGATATCTTTGTGGGAA

>trans\_c\_10643NM\_110986|Arabidopsis thaliana AtRP2 (PPDK regulatory protein 2); protein kinase  
(AtRP2) mRNA, complete cds

ATGATGTGGAGAAGACTGTTGGGAAGTCTATTTACATGGTGTCTGATGGCACTGGATGGACGGTGGAGCACT  
CCGTCACCGCCGCGAACCCAGTTAAGTGAGTAACAAATGA

>trans\_c\_10644AY103550|Zea mays PCO151000 mRNA sequence

TCACGTATTTCCGCTCGCAAGAACAGACATTGGCTCATGACTCATATTCATTCTACTGTTTCGCATGATGAAACT  
ACTGTTGACAAATAAAGGCCAACACTATCGAATACTGG

>trans\_c\_10645Novel Gene

TCTCCGACCATAAAACGCAACTGTCCTGGTCCTGGAATTGTTGTAAATCTCTAGTAACTTTCTAGCATCTCAAG  
CCTTGAGGATGGACACCCCTCGTCGAGTCGAACGGAA

>trans\_c\_10646AJ717942|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BSTT2-23-305, cultivar Bright  
Yellow 2

AGGTAACGAAGAAGAATAGAGTTTGGGATGAGAAACCCACTGAGGCAAAATTAGACTTCACAGATCCTGTGG  
GTGAGAATGGCGATAACAATATCGAGCAAAACCGTCGTCT



>trans\_c\_10647NM\_106648|Arabidopsis thaliana protein binding / structural molecule  
(AT1G79990) mRNA, complete cds

CGAGCCACACTATTATGATGCTCCTTGGAATTGAAGGTAATTTCTACTGGCTCTTTCTAAATCTCCACGCATT  
ACAAGTGTCTTGTAATCAATCAAGCTAAGAAGTAATG

>trans\_c\_10648AJ002532|Arabidopsis thaliana ADPG1 gene

CCTTTCCCCCTAATTCCCTTCTTCCATTTTCTTTTCCAATGTCTACAGCAAAGCTTCTTCGCCATATCCCTGACCC  
CATCGATGAAAATCATGACAACAACCGTGAAATTG

>trans\_c\_10649XM\_003079041|Ostreococcus tauri Ca<sup>2+</sup>-independent phospholipase A2 (ISS)  
(Ot04g05720) mRNA, complete cds

ACCCGGCACAAATTGTAAGGAACCTAAACTGCACTAGTAGTCCCATTCGGCAAATTGAGGGCTGCATTGTT  
TGTGGAAGCCTTGTTACTAGTTGAGGTACTTTCGTTA

>trans\_c\_10650XM\_002983254|Selaginella moellendorffii trehalose phosphate synthase (TPS3),  
mRNA

TTTTCGGCTGCAACAAGAAAGGAAATGACGAGCATAATCGAAAGTGGAATCCAATGATATCAGAGTTAAG  
TAATGCCTTGAGAATCTCTTCTCTGACAGGAAGGGTACGG

>trans\_c\_10651XM\_002866038|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ftsz1-1 (FTSZ1-1), mRNA

CAACTCCGAGCATTGCAGTTCCTGAGTCTTTCATAACGGCTTTCACGTCAGCAAATCCACGTTGACCAGCCCT  
GGAATCGTAATTATATCAGAAATTCCTTGCACTCCTTG

>trans\_c\_10652Z30332|S.oleracea mRNA for protein kinase

TTTGGAGTATTTGCACATGCTTGGGATAATCTACAGGGACCTAAACCTGAAAACATTCTACTCCAGAAAGAC  
GGACATATCATCCTCACTGATTTTGATTTATCAGCCGGA

>trans\_c\_10653XM\_002867275|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytosol aminopeptidase family  
protein, mRNA

CGAGGAACTCTTCTGAATCCAAGCCTAACTTGCCTCAGCCATTGCATCTGGGACTATACTTGGGATATTTG  
ATGACACTAGATACAAATCAGAATCCAAAAAGTCTGCT

>trans\_c\_10654XM\_001696458|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AAAGAAATTCATGGGGAGGAATGACCCCACTGCTACCGATGAAGTTCTACCTCTACCCGTTCTACGTGTGTTGT  
GGTACCAGGTGTAGGTGCGTTTTATTGTTGGAATGAGT

>trans\_c\_10655GU983663|Malus x domestica ADP glucose pyrophosphorylase small subunit 1-like  
protein mRNA, complete cds

GAAGATTGATGAAGAGGGACGCATAATTGAGTTTGCAGAGAAACCGAAAGGAGAGCAATTGAAAGCGATGA  
AGGTTGATACTACTATTTGGGTCTTGACGATGAGAGAGCG

>trans\_c\_10656XM\_002300803|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

AGATGCCGGCTATGTAATATTTGAGGAGAGCTCAGATGAGGTGGATTATCTTGCTTTATAGGAGGAAAAGTTT  
TAAGCACTCGCTGGTAGTCGCAGCAACCATTGAGCGCTA

>trans\_c\_10657FJ268747 | *Oryza sativa* Japonica Group rolled leaf 9 (RL9) gene, complete cds

GAGTGGGGGTATTTATTTAAAAATGAAGAGATAATATAACGAGTTATGCAAGTGCTTATTATAATGATTATTC  
ATCTGCTTGAATGGTTACCATGAGTATTTTCGTAATTATT

>trans\_c\_10658XM\_002882025 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* phosphatidylinositol 3-and 4-kinase family protein, mRNA

GATATGGTGAACTCTACTGTAGATGGCTTAGACTGTGGGCATTTTCCAGTTAGGTCTTTGGAGGGAACTGGTG  
GAGCATATCTTATGTTAGTGGCCAGTCCAAAGAAGTATG

>trans\_c\_10659NM\_001066268 | *Oryza sativa* Japonica Group Os07g0506000 (Os07g0506000)  
mRNA, complete cds

TATACCATGCAGTTATTATCTCAGCATCTCTTTTACTGGAAGAATCCTAAGGAGCAAAAGGCCATAGTAATTAT  
TATATTAATGGCTCCCTTATATGCAGTAGACTCATTTG

>trans\_c\_10660GU784915 | *Volvox carteri* f. *nagariensis* female mating type locus, complete sequence

GGTCAAAATATGCGGAATTTCTTACTTTTCGCGGAGGTGGCTCGAACTGCCAATTTTGTAGCGTTGGCCAATC  
GCGGTACACAACGACGGGCTAGCGGTACCGCTCCCCTTC

>trans\_c\_10661FJ024080 | *Physcomitrella patens* phosphatidylinositol phoshate kinase (PIPK1)  
mRNA, complete cds

TCAGGTGAATCACAAAATTTAGACAATAGCTAACTTCTATGAGACTTAGTGCCTGTTGGATGAACCTCATGTAA  
ACTGTACTAGAAGACCGAACTGTTGTAGTGATAACCTA

>trans\_c\_10662NM\_124336 | *Arabidopsis thaliana* DNAJ heat shock N-terminal domain-containing protein (AT5G49580) mRNA, complete cds

CGGGAATTGGCTTCTTTTCTTCTATATCAGCATTGTCATCCAAAAGTTTCCGTAGAACCAAAGGAAAGCTGCT  
CCAGAGATGGCGATGACCAAAATAGCAAAAGCAAACCC

>trans\_c\_10663NM\_116184 | *Arabidopsis thaliana* RRF (RIBOSOME RECYCLING FACTOR, CHLOROPLAST PRECURSOR) (RRF) mRNA, complete cds

AGCTCACTCTTGGTCCAGCCATATGATAAATCCAGCTTAAAGTCAATAGAGAAGGCCATAGTCAACTCTGACTT  
GGGATTGACTCCAAACAATGATGGAGAAGAGTATCGGT

>trans\_c\_10664AY057490 | *Arabidopsis thaliana* At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

CTTGATGCCCTAGTTTCAGAGTCCTTGGCTAATGACTCATGTAACGACTGAAGTTCTAAGTTTCTTGTAAGTAGT  
TTGCTCTATTGTTTGTAAATTGGTGTTCTAGTTTCTCCT

>trans\_c\_10665Novel Gene

AGCTGGTTTTCCGCGAAACCTATATGAGTAGGTAATTTAACTAACATCTTAGCAGGTACAGAACTGTGATCTCG  
GACAATATTTTTGTCAACATCGGGGGGTGTGCTGTCAG

>trans\_c\_10666XM\_002331295|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP72A44), mRNA

AACCTGAGAACCATTGTCCAAGCAAGCAATACGGCTGTGGTTTCTTGACCGGCAAAATAGAAAAGCCTGCATT  
CACTAATTACTTCTTCTATGCTCATTCCAACATCTGTCT

>trans\_c\_10667XM\_002864971|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nitrogen regulation family protein,  
mRNA

TGACATAAGAAAAGAGACTACGTCTGCAAAGGAATGGAATCAAATACTCCTTCTCCGGGCTGGGTTTCCATAA  
ACTTTTTGCTACTTAGAAAACAAGGTTAGCAAAACGGGC

>trans\_c\_10668EF154457|Citrullus colocynthis x Citrullus lanatus var. lanatus 1-aminocyclopropane-  
1-carboxylate synthase (ACS3) gene, complete cds

TCTCCTCCCTCTCTAGATTCTGTCCCTCTCTGCTTTCTCCACGTTGTTGCAGAGAAATGTCGAAGGAAGGAGCT  
TTCGATCTTGCTCCGGATGAGATAGAGCTATCTCGA

>trans\_c\_10669DQ092928|Helianthemum scopulicola voucher 67BGA04 internal transcribed spacer  
1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2,  
partial sequence

TGTGGAGCATCTCATCTGGGTCTAAATGGAAAGCCTTTTCCGCATTAAATCCACTTGTAAGGAACCCAAATGTT  
GTATTCCTAATGAAAAATCCGGTTAAGGTGAGGGAG

>trans\_c\_10670AB108094|Phleum pratense DNA, SSR, microsatellite A01-F05

AAAATATTTGCTGTTTTGTTTTCTTGTGTGTCATTGGCTTTTGATCCATCACATCATAGTGCCGTTGCATTATTGATC  
TCCAAGAATTCGTCCAAACCGCACCTTTGAAAAAC

>trans\_c\_10671DQ629318|Polypodium polycarpon large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

CGATTGTAGGGAGATACCTTATTCCGAGAAAGGAACTCGCGCTTACCTTACAGGACGAAGCGGAAGCGAGA  
ATGTCGGCTTGAGTAACGCAAACGCCAACAAGAATAACCG

>trans\_c\_10672GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete  
sequence

CCCAATATCAATTTTCTCAGGCTCAATCGGGTACTTATTAGTTGCTGGTGCTCTTCAAAAAATCCTTTTTTCACC  
CTTTTGTAAGAGAAAACGATAAACGAGGATGAAG

>trans\_c\_10673NM\_202194|Arabidopsis thaliana interferon-related developmental regulator family  
protein / IFRD protein family (SAT32) mRNA, complete cds

AGATCAATATCATTTTTATCAAGTCTCTTGACAAGGACGACCGTGCTGTACGTATTGCTGCTGGTGAAGCACT  
GGCATTGATTTTGAGATAGGCGTTTTGTCTCCTAGGG

>trans\_c\_10674NM\_001061439|Oryza sativa Japonica Group Os05g0208000 (Os05g0208000)  
mRNA, complete cds

CAAGTAACCAAGAACATGCTTAAGTCGGAGGGAGTTGGTGCTTTCTACAAGGGTCTATCTGCTGGGCTTCTTA  
GACAAGCTACCTATACCACTGCACGACTTGGATCATTCA

>trans\_c\_10675EU002554|Viviania marifolia RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

TGTCGCATTTACTCATAAATACGGCCTTGTTGGTGAATAGTGACGTTATGTATAATATCCTCACTCTCAATAGT  
TACATACAAGTCTATATAACATTCCAAAGCAGGGGTA

>trans\_c\_10676AY664409|Nicotiana sylvestris hexokinase 4 (Hxk4) gene, partial cds

GGTAAATGTCTCGTCTTCCTCAAAAGCTGTGGCTTCCACTTTGTCCTCCCTTGTATTAGATCACATGAATTTTGG  
GGGGCATGTGAATGCTTCTGGATCTGAGGGATCAATA

>trans\_c\_10677XM\_002872644|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2369, mRNA

CAAGGCCAACCCCATTTACTTGATGGACTCCACAGTTGTCCTACCAGTTCAGATCAATGGTAAACAAGAGGT  
ACCATCCAGGTTGAGAAAACATGTACAGAGGAGAGCATC

>trans\_c\_10678X94626|Arabidopsis thaliana mRNA for AATP2 protein

AAGCACTTGGGTCCCGGAGTTGATGGTTGGGCAATATCTCTGAAAGCAATGATGAGTATCGTGGTTGGTATG  
GGACTTGCTATCTGTTTCTGTATTGGTGGGTGAAACCAA

>trans\_c\_10679NM\_001069685|Oryza sativa Japonica Group Os09g0410700 (Os09g0410700)  
mRNA, complete cds

TATCAGAGCATCGGTGAGACAAAGCCCTAACGCAAATCAGTGCCAGAAAAAGACGATGGCGGCGGTTCCAG  
GACAACTACGGGTTTCTCGGTCACCTCTCCACCAGAGGGG

>trans\_c\_10680XM\_002864401|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATEXPA14, mRNA

TGGAGCTTGTGGGTATGGGAATTTGTACAGTCAAGGATATGGAACGAACACGGCGGCACTTAGTACTGCTCT  
GTTACACCGTTAAGACGCTGTGGCTGAACGATACTTATC

>trans\_c\_10681XM\_002874133|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata prolyl oligopeptidase family  
protein, mRNA

GCACATCATTTGTCTTTGCCTGTGAAGTGGGCGCAACATATCCTGGCAATGGATATTGTACAATCTCTTCAACT  
GGGAAAAGGAAAGAGTCATCCAACTCTGAGCAACACT

>trans\_c\_10682NM\_001114649|Zea mays starch branching enzyme III (sbe3),  
mRNA gb|EU333945.1|Zea mays starch branching enzyme III precursor, mRNA, complete cds

AAAGAACACCCAACATTTACCGAGTTTTTCTCTCTCTCCACCATGGCTCAGGTTCCACCTCAACCTCAAGTTCC  
TAACTCCGGCGCCGATCCGGCTGCCGGCAAGAAGCGT

>trans\_c\_10683X80170|O.berteriana rpl2 gene

>trans\_c\_10693AY738765|Carica papaya s-locus lectin protein kinase mRNA, partial cds

CCGGGTAATCTTTGAAATTTTATGGCAAGATTGTTTGAAGTAGATGAAACTCAAGGCAATACAAGTAGAATTG  
TGGGAACTTATGGTTATATGGCTCCAGAATATTTAATAT

>trans\_c\_10694XM\_002500154|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2 voltage-gated ion channel  
superfamily (MICPUN\_98786) mRNA, complete cds

TATATTTTCATCTCTTCAACAAGGGGCTGCCGTCTACGCCATTAAAGCGGTGGAATCGTTCTCTCTCCAAGCGT  
CGGCTAGGGGATAAGGGCCCTTGGGTAGGTGGCCCTGG

>trans\_c\_10695NM\_114748|Arabidopsis thaliana ATMP2; heme binding (ATMP2) mRNA, complete  
cds

ATGGCACCGATTCCAAGAAACCCCTTCTCATGGCTATCAAGGGTCAGATCTACGATGTTTCTCAGAGCAGGAT  
GTTCTATGGACCCGGGGGGCCCTATGGGGAAAAACGAAA

>trans\_c\_10696DQ531133|Penstemon newberryi internal transcribed spacer 1, partial sequence;  
5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

ATCTGCAATTCTCGCAACTCCAATCCTCTATCTAACACTCTCTCCTTCCCCATTTCAAACCTCAGGTTCGTGGTC  
TTCAAATCAAGTGTGTACACACCAAGAACTGGTCTC

>trans\_c\_10697NM\_001112117|Zea mays elongation factor 1-alpha (EF1-A),  
mRNA gb|U76259.1|ZMU76259 Zea mays elongation factor 1-alpha (EF1-A) mRNA, complete cds

AGCGGCTTCTCTCCTCAGTTCTTTTACCTAAGCGGAAAGCATGGGTAAGGAAAAGACTCACATCAACATTGTA  
GTCATTGGCCACACTACACTCAACGGTGTAGTTGTCACA

>trans\_c\_10698NM\_001084845|Arabidopsis thaliana glycine-rich protein (AT3G59640) mRNA,  
complete cds

TGAGTAAATATTTTATGTACAAAATAAAGCCAAGGGTCGCCAGAACCACTTGCAAGTGTTCATCCAAAGCTTCT  
GCGAGACTAAAATCCTTAGCTCCACTAGAACTATCCTC

>trans\_c\_10699NM\_116261|Arabidopsis thaliana ANTR2; inorganic phosphate transmembrane  
transporter/ organic anion transmembrane transporter (ANTR2) mRNA, complete cds

GAACAATATACTCTCCAAATGGGGCCCTTTTTGCTTGTGTTTCGTGCATTCATGGGGATCGGTGAGGGTGTTG  
CAATGCCTGCCATGCCACCATATGTCTCCAAATGTTGGA

>trans\_c\_10700AF092431|Lotus japonicus nodule-enhanced protein phosphatase type 2C (NPP2C1)  
mRNA, complete cds

AAGATCCATCGGTGATGAATATCTCAAACCATTTGTTATCTCAAACAGAAAGTGACTGTGACCAAGAGAACC  
GACAACGATGAGTTTCTCATACTAGGAAGTGATGGTCTA

>trans\_c\_10701EF583813|Populus tremuloides alpha-tubulin 3 mRNA, complete cds

AGGTAGGAGAGAGGATCTTGCTGCCCTTGAGAAGGATTATGAAGAGGTGGGTGCTGAATCAGCTGAGGGCG  
AGGATGACGAAGGAGAGGACTACTAGGTGTACACCAAACCG

>trans\_c\_10702Novel Gene

TATTGGTTCCACATTACTTGAGCAGATAAAGGATCAGGCATCAGTTCTCAAAGAAGATTTAACATTGACTTGC  
GTGTCATGGGAATCATTAGCTCCAGAACACGTACCCCA

>trans\_c\_10703AB031035|Petunia x hybrida pMADS4 mRNA, complete cds

CGTAGAGAAGTTAAAGCAAGACACAAATAGTTGTGCAACTGGTGGAATAACTTCTACGTTAGTTTGCTAGCAT  
GTGTTGATTTTCGCTGTAGTCCCTACGAGCCTACGTCCT

>trans\_c\_10704AY518220|Oryza sativa (indica cultivar-group) NBS-LRR-like protein A (NL-A), NBS-  
LRR-like protein B (NL-B), NBS-LRR-like protein C (NL-C), and NBS-LRR-like protein D (NL-D) genes,  
complete cds

CAGTGCTATCCACAGAAGTGTCTGTACACACGTGTATGCAGCTGAGGCATCCTAACAGTGGCCATCTGAACT  
TGATCTCTTATGGATCCCCGCGCTCTGTTGAGAGAGATT

>trans\_c\_10705HM369802|Vitis vinifera cultivar PN40024 chloride channel ClC4 mRNA, complete  
cds

AGGTGAATGTGGGCTGTTTGGAGAAGGAGGTCTCATCATGTTTGATGTCAGTGGTGTCTGTAAAGTTACCAT  
ATCATGGACATCGTTCCAGTTGCTATCATTGGCCTGAGG

>trans\_c\_10706AB239790|Rosa hybrid cultivar TUB mRNA for tubulin, partial cds

AGTGAAACCAAGCTTTGATTTTTTCCATAATCCACTGACAAGCGCTCTAACAACAACGAACCCAGACCAGAAC  
CAGTGCCACCACCAACAGCATTGAAGACTAGAAATCCT

>trans\_c\_10707Novel Gene

TCAACTATTAAATCTTGGATGGCCCGGGAGGGGCAAGCGCGAGAGATTGCCGAGCGGCGGCCACCACGAGG  
GGACCAGAGGGGACGGTGCCCTTCCGCAACGCGGAGCGCGG

>trans\_c\_10708NM\_001185445|Oryza sativa Japonica Group Os01g0512700 (Os01g0512700)  
mRNA, complete cds

CAATCATCTCTCTAAACCAGCCTTCTCCCCAATCGAGCAGCAGTCACTGTCTAGTTGCAAGGAAGAGAAATCAA  
ACTCAAACGAGGAAACCCAGAAGATGGAGGTAGATAAG

>trans\_c\_10709XM\_002314289|Populus trichocarpa type-b response regulator, mRNA

GAAGTATTTGGGGGTGCTGCCGATCTACATCGTCAACACAAGTTTGCTCCAAGTCCTTCCATTCACTTCCGC  
TTGCGAACAAACATGCTGCCATATGTTCTTCAGTGCTTC

>trans\_c\_10710BT015433|Arabidopsis thaliana At1g80120 mRNA sequence

CAACCACCACAACCACCACCCATTTCACTGTCATGAAAATTCTCTCTTCTTCGAGGCGATGGCTTCACCGTCT  
ATGATTGTGGGAATGGGTCTACTCCCTAGACTAGCCT

>trans\_c\_10711Novel Gene

GAAGATAAGTCTTGGAAGGGGAAGAAATTATCAATTCCGTTGGTAAGTGGGTGTGTGGGAGAAGCTGAAAT  
CTCTCTTCTAACTGGGAGATCTCTGATATTCTTGTTTGGT

>trans\_c\_10712Novel Gene

CGACACCCCTCTCGGATTTACACACACCATTGATGAAACAATACAAAAATCGAATTATCCCAAGTTATTATA  
TGATTTCTAGTATAATCGAAAAAATTCAGTACAATTAA

>trans\_c\_10713NM\_001049180|Oryza sativa Japonica Group Os01g0260700 (Os01g0260700)  
mRNA, complete cds

GAAGTAACAACCGGGTCATTTCTTGAGGATTTCCGAGGTTGCAGGGGCAGATCGTTCTTCAATCATTCTCCC  
ATTGTCAGGTCTTAAGCAGTTCTATGAAATAGTAGGACA

>trans\_c\_10714AY321169|Chorisia crispiflora trnK gene, partial sequence; and maturase K (matK)  
gene, complete cds; chloroplast

AGACGACTTAATATGCCGACAAAACGAAACGCTGCGTCACTGAATACTGCTTTTCTTATGAGTGAGTTATCCAT  
TTTTTCTAAGTCCTAACTGAATCCCGTCTCGGTGACG

>trans\_c\_10715AY371292|Mesembryanthemum crystallinum early flowering 3 (ELF3) mRNA,  
complete cds

TTTGTCTCCCGGTAGAACTCCTTGGAGGCGCTCTTGGCCAACCTTTCTCGGTATCATTAAACATGGAGCCTAGG  
AAACATAGGTTCCATCGTCTTCTCATCATCCTTTGCTC

>trans\_c\_10716FJ590953|Dimocarpus longan cell division cycle protein gene, complete cds

CAAGGATACGCATGGGTATGTTGGAGCTGACTTGGCAGCTCTTTGTACCGAGGCTGCACTTCAATGCATTAGA  
GAGAAAATGGATGTTATTGATTTGGAAGATGAAATGGTT

>trans\_c\_10717Novel Gene

CGTGACCTTCGCGCTCTCATTGCTAATCGGAATTGTGCTCCGATCATGCTTCGTTTGGCTTGGCATGACGCTGG  
CACTTATGACGTGGTTACGAATGCCATGCAATGAAATG

>trans\_c\_10718DQ056436|Lycopersicon esculentum oxoglutarate/malate translocator (ACI36)  
mRNA, complete cds

CGTACTAATGTTTGGTACCGTAGCAGCTTCGCCAAAACCAAGGTTATCCTTGAAGAACTCAACACTTTGATCAT  
ATGAAGCAAGCATTCCCATGTTTAATCCCATTGCTCTT

>trans\_c\_10719BT009669|Arabidopsis thaliana At1g18620 gene, complete cds

AAGCAAAAACAGATTACATTGCATCATTATGTGAGAATACTGATCCAGATAACAGATACATATCCGAAATATT  
GTTAGCTTCTGGCCTCTTACTCCGGGACCTTGGCTCAGG

>trans\_c\_10720Novel Gene

AACGACCTTCAATACTACCCAGTCACACATCGGCTTAGTAGCTGTTTCTTCTGTGTGAATGGTCAGTAGGCTC  
ACCTAAAGCAACGTTGTTGACTCTACCGTGTTAACAT

>trans\_c\_10721AY647929|Arabidopsis lyrata subsp. petraea AT1G06530 gene, partial cds



G TTCAGTTGCAGAAGGAAGTTGAGGAAGCACACAAAGTCATTTGTGGGTAAAGGAGAAAGCAGTGAATGC  
TTTGAATGGAACTGCAGAGGAACTCAAGTCGGCATTGAAG

>trans\_c\_10722XM\_002306146|Populus trichocarpa plant synaptotagmin (NTMC2T1.1), mRNA

GCAAGCACGATAAGATGGGAATGAACGTTGTTCCGTTGAAAGAACTTACCCCTGAAGAGTCCAAGGAGTTTA  
CTCTTGACGTGTTGACAACGCGTCTGAAGCCGTTATGTGT

>trans\_c\_10723NM\_001062529|Oryza sativa Japonica Group Os05g0508300 (Os05g0508300)  
mRNA, complete cds

AATGTTGTTACCATTGATGGCTATACTGATATTCCTCCAAATGATGAGGGAAAATTACTGCAAGCAGTAGCAG  
CTCAACCTGTTAGTGTTGGGATATGTGGCAGTGA CTCTC

>trans\_c\_10724X67695|C.sativus mRNA for cs DnaJ-1

GAAACTCAGAAGGTCCAAAATCCACAACACAAGGCGCTGGAGGGCGTTCTTCCTCCCAGGACCTCGGTGCAG  
CTCTCAGATATGGAGTTGGATGAATGTGAACTCTGGTGAG

>trans\_c\_10725BT028933|Arabidopsis thaliana At3g60220 mRNA, complete cds

GGGGAATTCTAGCGCCGTCAACAATAACAACAATCATCCTGTTATTAGCCAACCAACCAATTCATCTGGTTCTC  
TGCTTCTTGATACGGTGCCAGGGCTCAAGCATGATGCT

>trans\_c\_10726FJ388876|Juglans nigra KNAT3-like transcription factor mRNA, complete cds

GTTGTTGGTCCTCGTCGTCGTCGGACATTGTTGCTCCTGTACCTTCGCCAGGTGAAACTCCTGTTAACTTTGTA  
AGGACTGCTCAATGTCCCAGCAAGCCATTACTGCTTC

>trans\_c\_10727XM\_002500870|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3 peroxisomal protein  
importer family (PEX12) mRNA, complete cds

GTGTTATTGTAGAGAATCCCTGTCTTGTTCACCGGGGGGCGGGCGGGAAGAACGGTTGCGCACACCCGG  
CGAGGTAACGGGAGGAGGGGGGTGAGACGCGACGCGCGCG

>trans\_c\_10728AB238681|Arabidopsis thaliana CMS1 mRNA for CGS1 mRNA stability 1, complete  
cds

AGATGGCTCCATGTCTTGATCAATAAAATCCTGCATCACAGACGTCTCCTTTAATATAAGGACCTCTGCTGAGA  
ATATTACAGTATCCTGAACCAGAAACCCGGAATCCTGA

>trans\_c\_10729Novel Gene

CCTTCGATTATTTGATTCAGATTCATTCTAATCAACATGAATTATGAAGCAAAGAAATAGAATTGGGCCACT  
ATGTATATTAGATTATACCCGACCGCGTGCGGTTGCCA

>trans\_c\_10730Novel Gene

GGAGGGGAAAATTCGTCTCTCTGATTAGCCTTCAAATCTAATTAGGGTTTTGTGAATGTAATTTGACTGATC  
ATATTCTTTTGTATTTATGACTCCAATTTTAATAATA

>trans\_c\_10731XM\_002884510|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata short-chain dehydrogenase/reductase family protein, mRNA

TAACATGATTAAAGCTGCCTTACCTGCAATGAAGAATAGAGTTGACCGTCGACCTGCATCGATCGCTCTCATGT  
CTTCTCAAGCCGGTCAGGTAATTCACATAAAGGATGGA

>trans\_c\_10732DQ923119|Nicotiana tabacum chloroplast NADP-malic enzyme precursor, mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GGATTCCAATGGTCGAGCCGGTGAGCGAAGCGGGAGTGTTCTGGTGGAGAACAGCACTGTGAAAGAAATTG  
CTAAACCTCCCTCGGGAACAAAACAACACCCCAACCCCCC

>trans\_c\_10733AF064456|Oryza sativa subsp. indica calmodulin-like protein gene, complete cds

GTAATAAAGACTTCAAGTGGAGATCAGAAGAAGATCAAAGAAATTCAGAGGGAGAGATCAGAAATGGTATA  
TTGTGTATGTATTGAGTGTAATAATATAAACCCCCACGTTG

>trans\_c\_10734GQ354543|Spartina pectinata microsatellite SP5D027 sequence

TATGATAATATTGTGAGCTGATCAACTTCAAAGACCTGTTTTCACTTGTATAGATTTGAAGAATGGGATATTT  
CCACACAACAAAATGCTATCTTCCATGTCTGTGTTAAT

>trans\_c\_10735NM\_001049288|Oryza sativa Japonica Group Os01g0280400 (Os01g0280400)  
mRNA, partial cds

CCGGTTTTTTAATCCCTGCAGGTGTCTCACCTGGTAGATAAGGCTGCAGAATTGGGGAACACACATTAGATAG  
CCATTCAAAAATCCACAGCAAGATCTACCTGAGACTGTC

>trans\_c\_10736D50456|Cucumis sativus mRNA for PsaL, complete cds

CAGGCGGGTTCTTCTTCGGCGGTATCTCCGGTGTGATCTGGGCATACTTCTCCTCTATGTCTTGGACCTCCCTT  
ACTACGTCAAGTAGATTTTGCCTGCCCCCTCCTTGGC

>trans\_c\_10737NM\_130215|Arabidopsis thaliana SDH4; succinate dehydrogenase (ubiquinone)  
(SDH4) mRNA, complete cds

CGCCAATCTCCTTAGGAGAAGGAAAAATCGAAGAGATTATGGCAGATTATGTTACCAAGAAATGACCCGAA  
ATTGGGCTCCCCAGATAAACTCTAAACCTTTTTTCATCTC

>trans\_c\_10738HQ340170|Oryza coarctata ubiquitin 2 gene, partial cds

GCTTGAGGAAGACAACACCCTCCACCTTGTCTCCGTCTTCGTGGTGGCATGCAGATTTTCGTGAAGACCCTGA  
CCGGAAAGACCATCACCTGTCTTGGTCTGATGACAGT

>trans\_c\_10739XM\_002319652|Populus trichocarpa tubulin alpha-6 chain (TUA6), mRNA

GGCACCTTTGGAGGCTGCGGGCCGTAGTGTTGGTGGTGGAACTGGATCTGGATTGGGGTCATTACTTTTGA  
ACGCCTGTCTGTGAGCCGTAAGTTCTTCAGTTTCGAACTC

>trans\_c\_10740Novel Gene

TCTTTTGGTCTGAATCAGCATGTAAGCTTTGAAGGTGGGAGAGACCTGTTCACTTACTTCTGATGGGCATCTGC  
TTAAGTGCAAAACCTATATGTGAAAGTGATGCGCCGCA

>trans\_c\_10741AB194607|Pisum sativum PsIPT2 gene for adenylate isopentenyltransferase,  
complete cds

AAGGCAGGGATTGTGTGTATCGGCGTAGTGCTAATTCAGTGCACTCTGTTCCGAAAGAGTTCCTGCCACAT  
AAATCTTGTAGGGTAGGGTCTGGTAGACATACACGCAGT

>trans\_c\_10742Novel Gene

TAAGTTCATCGGGGTTTTATCTGAAGGAATTGATTGGTGAGATAAGATGGTGTACTCAGTAATCTACTTAACT  
GTCGAGTCTAGCTGTCGAAATACGAAAACAGCGTGCTTG

>trans\_c\_10743XM\_002890218|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata immunophilin, mRNA

TGGAGCAACAGAGGTCTACCAATGTCGATTCTACGGATTGGATTGCTTCAACTTTGACGAGACGATTTGG  
GCTCGGCGCTGGCCTTGCATGCGCTGCTTTTCTCGCCGT

>trans\_c\_10744EU379346|Solanum lycopersicum thiamine biosynthesis protein ThiC (thiC) gene,  
complete cds, alternatively spliced

AAGGTGGATCAGATGAAACACGAGAAATAAATACCATTCATGCTGGGGTCTTACTTCGATACATCCCTCTAAC  
AGCAAAAAGAATGACAGGAATTGTATCACGTGGAGGATC

>trans\_c\_10745XM\_002304284|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

AATGAAAAAGATGATGAACGATAAGGCACTTGTCAGGCACTTAGCTGCTTGTGAGACGATGGGATCAGCTAC  
TACCATTGTAGTGACAAACAGTTCCACTGTCACACTAAC

>trans\_c\_10746Novel Gene

CTTTTCCCAAGGGAGAATGAGCAATCAAACCTTCGTTATAGCATTCGTTGTTCAATGAGAAAACCCACAGATA  
AAATCTCGTTGTCTCATATAATACACAACGAATGCAAA

>trans\_c\_10747Novel Gene

CATAAACTTTGGACTTAATAACAACCTCACATGGTCACACTACATCATTGCAATACTATATTATTTGGCTTCCCTC  
TTTCATTGTTGCTTACGAAGCTCTGTTTTACGGTAAC

>trans\_c\_10748D29629|Cucurbita cv. Kurokawa Amakuri mRNA for aconitase, complete cds

GGTTGCTGGTTGGGGTGTGGAGGTATCGAGGCAGAAGCTGCAATGCTTGGACAGCCAATGAGCATGGTCTT  
GCCTGGCGTTGTTGGTTTAATAATGGGTTCCCTACAGAG

>trans\_c\_10749NM\_001050536|Oryza sativa Japonica Group Os01g0703600 (Os01g0703600)  
mRNA, complete cds

GAGGCCAAAATTCTTAGTGAGTTTATAAAGACTGATGCTTATAGAATGGAAGTTGCTCAGAGACCAACCGATGG  
CAGTAACAAATGCAGTTTCTTGCGGAGTGAAGGGATAA

>trans\_c\_10750AY107314|Zea mays PC0076491 mRNA sequence

GAGGATGAAGAAGTGGTTCAGATAAATGGAGAGCCTGAAACCGTTCAAGATGCCATGTTTCAGATTACTACT  
CGGTTGAGGCATCATTTTTTCCGTGATGCTTTTCCATCAG

>trans\_c\_10751Novel Gene

CCTCCTCCTCCTCCTCCTCTTCTCCTACTGTTTTATGTATATGAACTTTTTGGAGCATTGGTGTATGATCGGTA  
CTTGCAATTTTTTTTTTTTTTCCCCAGGGAGAGTTT

>trans\_c\_10752AM690238|Melinis minutiflora partial ppc-C4 gene for phosphoenolpyruvate  
carboxylase, exons 8-10, specimen voucher G. Besnard 18-2006

GAAATCCATAACCCAGCAATCCAAAATTTCAATTTTTCAGACAAGAAGAAACAAAAACCAGCCGAATCGATTTTC  
TCCATTGATTTGGGGTTTCTTAAGAATAGAAAGAGAAG

>trans\_c\_10753XM\_002872850|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ribosomal protein L5 family protein,  
mRNA

GTGTGCTGTTGCACCAGCACTCTCCCTGAAAGGCATTCCCATGAGAGCCAGGAGTCGCTGAGCTTCTTGATCG  
GTTTCAGCTGTTGTTGTGATACAAACATCCATCCCCCTC

>trans\_c\_10754U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

TGATCCCACTTTAGCTGTTGTGGCCTATCGACGTGGACAGTGTGATGATGAGCTTATTAATGTTACAAACAAAA  
ATTCTTTGTTCAAACCTGCAAGCAAGATATGTGGTTGAG

>trans\_c\_10755BT008487|Arabidopsis thaliana At1g12230 gene, complete cds

TAAGCCTTGCATCAGGAATGGGGCCTGCAGCTTTGCAGCTGCTTGCTAATGGATTGGAAGGTTATGCTGACCA  
AACAAAGCGAGTTGAGGAACTTTTCGAGAAGATTTGGCC

>trans\_c\_10756Novel Gene

AGTTCTTGAGTTTGGAGTCCGCCAAGTCTATCATTCTTGCTGATCAGTCACATCAGTCACATCTCTCATAGC  
ACGCCAAAACAAACCTGGGATTTTCTATCTCTTGTA

>trans\_c\_10757GQ848332|Vigna radiata plastid glutamine synthetase mRNA, complete cds; nuclear  
gene for plastid product

GAGAAGGAAATGAGAGAAGGTTGACAGGAAAGCACGAAACAGCAAGTATCAACACGTTTTCTGGGGAGTG  
GCTAACCGTGGCTGTTACGAATGTGTTTCATGTACACAG

>trans\_c\_10758X58356|N.sylvestris gene for 33kd chloroplast ribonucleoprotein

TTGGGGCCTCACTTCTCAGAGTCTAAGAGACGCTTTTGAAAACCAACCGGGGATATTGAGTGCTAAGGTCATC  
TATGATAGGGCATCTGGAAAAAGTAGAGGTTTTGGATTT

>trans\_c\_10759EU670744|Salvia miltiorrhiza 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase mRNA,  
complete cds

AATCCATGCTGCAATGGGAGGAGGCACAGGCTTAAATCTCTTCAAAGACGTTTTCCAACAAGATGCTTTGAT  
GTTGGCATAGCTATCACGCCGTAGTGGCAGGTACTACAC

>trans\_c\_10760XM\_001697216|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TCGCCTTTTAACTCAGTGGTAGAGTAACGCCATGTGCCTATACGCTGTGCTAACCTGGGCTTAGCGGAAAATC  
TTGCTCTGCAGAGAGTTCGACTTCAATCTGGGATGGG

>trans\_c\_10761NM\_106534|Arabidopsis thaliana curculin-like (mannose-binding) lectin family  
protein (AT1G78860) mRNA, complete cds

AAAGTGTAATTTGGATTGCAAGTGTGGGGTATTTTACCAAACCAAAGGGTCGCTTTGTTGGGTTGCAAAT  
GAGTTGAAAACCTTGATCAAGGTGGACACGGACGTGTG

>trans\_c\_10762AY507961|Arabidopsis thaliana PHO1-like protein (PHO1;H9) mRNA, complete cds

TTCTCATGCTCAGGTTATACCTTATTATGCAACAACAAAGTAGAAAGCTTCAAAAACGTTGCTCTGAGCGCATG  
TATTTGTTCTTCGTAGAAAGTCACCCACCCGTAGTA

>trans\_c\_10763Novel Gene

GAGCAACAAGAATCTCCAGACTGAGTACGGTTATTCGCTCCAACTACAATCAAACCTCCAATAAAACAATAAT  
CAAACTCCAAAAAATTAGGGCATGTGCCAACTGAG

>trans\_c\_10764XM\_002877172|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytochrome c oxidase subunit 3,  
mRNA

TCATCTGACCAAGGAGCATCACGTTGGCTTTGAAGCAGCTGCATGGTACTGGCATTGTTGTAGACGTGGTTTGG  
TTATTCCTATTTGTCTCTATCTATCAACAAAAGAACGC

>trans\_c\_10765NM\_113364|Arabidopsis thaliana AAA-type ATPase family protein / ankyrin repeat  
family protein (AT3G24530) mRNA, complete cds

CGTACTATTACAATGGAAGATTTAGAAGCAGGCCTCCGTTTGCTAACACAGTAAAATGAAAAATATTCAAATT  
CAAATGCTTCTAATGCAAAAGAAACACACACACGTCTA

>trans\_c\_10766EF207447|Itea virginica inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

TCCCTGAGGAACATATCGAGAGAGAATTGGATTGGTTAGACAATGTGTGGTTGGTAAACAAGGATCGGTTTT  
TTAGCAAGGCGTAAAATGTCTTGTCAAATATTTCATATA

>trans\_c\_10767XM\_002878418|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

CCACACGTAGTGTGGCCATTCAACAAAACCGTGTATGTTTGTAATTCGGCGTAAACCTACCGTGTAACCTCT  
CAAAAATTGTTAGAGCTTCTTTACCAAGCTTTGCTCT

>trans\_c\_10768AL161585|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 81

AAAGTCCAAAGGAATATCAAAATCTGCTCCAGAGTTAAACCAAGATGAAAAATCCAACAAATCAGCCAAGGC  
AAATGGTTTCAGACCATCAAAAAGTAATGGAAGTTCCTC

>trans\_c\_10769EF010876|Harpanthus flotovianus NADH dehydrogenase subunit 7 (nad7) gene,  
exon 1 and partial cds



TTAGACAGATGTGAGGAAATACTTTCAAAGCAACGTTACCTCTGTGGGAACACACTGACTGAAGCAGACATTC  
GGCTGTTTCGTCACCATTATAAAGCCTAGTAGTTGGGCG

>trans\_c\_10780AB257588|Silene latifolia DNA, Y chromosome fragment sequence

CAGAACCAACAGTAAATGGCAATAACAACAATAATACACATTTTGAGCCAACACCTTCCATAACCAAACCTAT  
GACCAGATGGAAATGGGGGCAAGACAGTAGTTCTGTC

>trans\_c\_10781Novel Gene

TGGAGTTTTTTGCTCTCCGCATATCTTGCTCATCCGACATGGCATGAATCACCGAACCTGCACTCAGGAATAGT  
AATGCTTTGAAAAAGGCGTGATTTCACTACTCCGATC

>trans\_c\_10782GQ177973|Arabidopsis thaliana ecotype Nd-1 VIN3L gene, complete sequence

TTTGTCGTCCGAGGACTAACCCCATCTTCAGAATACTATTTCAAAGCCATTTCTTTGATGGGACAGGCGATTT  
GGGCACATGTGAAGTTCAAGTCTCAACTACTATTCCT

>trans\_c\_10783EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AATACCGAGTTGGGTTCTTTTCTACCCGATCGAATAGAACATGCTGAGCCAAATCTTCTTCATGTAAACCT  
GCTTTATTTAGCGATTTCCCGATTATCCCGGCCAA

>trans\_c\_10784AB376668|Oryza sativa Japonica Group OsRan1 mRNA for GTP-binding nuclear  
protein Ran-1, complete cds

AATGTTCCACGTGGCACCGTGATCTTTGCAGGGTGTGTGAGAATATTCCAATTGTTCTTTGTGGAAACAAGG  
TGGATGTAAAAACAGGCAGTTTAAGGCCACCGTTGGT

>trans\_c\_10785AY105477|Zea mays PCO139280 mRNA sequence

GCTGCCATGATGAAGAGGTCATTGATGCTGCAAACGAGGTAGTTGATAGCATAGACAGAGATGAGCTGGCCA  
GGTATTTTGACTIONGACCCCGTATCCAAGGACACTTGGTA

>trans\_c\_10786AF521177|Hordeum vulgare contig 211252, complete sequence

AGTTTAGTGACAAGGAAAATCGAGAAAAGGGTATATACTTATGGTGCTACATTCATTTGGCTTTTACATCTAT  
GGTTATGGGCGAAGTTTTTCTCCAGCTCAACCCTGCT

>trans\_c\_10787Novel Gene

GGCAAATATGATTTGAGCCGTTTGAAACACCGCATGAGACATATTCGGCTATGGATGAGGTTGAATTGAATCC  
CGTCTGTTGTCTAAATGGTCATCCTCTATGAAACGGGG

>trans\_c\_10788AF097922|Astragalus membranaceus granule-bound glycogen (starch) synthase  
mRNA, complete cds

CACAATAACATTAAGACAACAGAAGGCATTACTGCACAGGCTATACTATGACAAGCAAGACAAGATAGTGTA  
CAATCAGCAATCAAAAAGATAGGATAATAACAGTCGAAC

>trans\_c\_10789Novel Gene

AGTTAAAAATCAGAAGTAGATAGACCATAAAGTAGCCATTTTAGGTTCTATCAATTTTATCACGACTATTTTCA  
ACATGCGTGGACCTGGAATGACTATGCATACGCTGGG

>trans\_c\_10790GQ981717|Croton billbergianus ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase  
large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

TTCCGCCGGGAGGCTCGTGCGGTAACACGAAAACCTTCGGCTTCAACAGGGGGCACTTGACTGTTCCGAGGG  
CGTAGACCCCAAAATCGAGATTATCTCGCATATTACTTA

>trans\_c\_10791AF262939|Pisum sativum chloroplast protein import component Toc159 mRNA,  
complete cds

CAGCAAAGTGTGCTCAAGCTGTTGGTGATCTGCGCATCCTAAATCCAACCTTAATGAACCCGGTTTCTCTTGTT  
GAAAATCATCCCTCTTGTAGAAAGAACAGAAGGCGA

>trans\_c\_10792AF195029|Glycine max plasma membrane Ca<sup>2+</sup>-ATPase (SCA2) mRNA, complete cds

ATCGGAAACGGAGGTTTCGATTTACTGCCAATCTTTCTAAACGATTCTGAAGCCAATGCTATTAGACGCTCCAAT  
CAGGTATCTCACTCATTTTAATTCTTGAGGGGCAAGC

>trans\_c\_10793CP001333|Micromonas sp. RCC299 chromosome 15, complete sequence

AATGGTCGTGATTATATACCTGATTAAAAAGCAGGGTTCTGTTTCCTTTGTGGATGGGGTCCTCGTTAAGT  
TCAGGGAACTGAAGGCATTGTTATTGGGTGAACCTC

>trans\_c\_10794FJ830450|Brassica rapa subsp. pekinensis anther-specific proline-rich protein (APG1)  
mRNA, complete cds

AATTCTCCACAAATCCCACTCCAATGAAGGTTTCTTCATTGATGACTCTCTGTTTTCTGCAAGGGACTTGTTG  
GATCCTCAACCACCACAACCACCACCCATTTCACTG

>trans\_c\_10795NM\_179124|Arabidopsis thaliana NADH:ubiquinone oxidoreductase family protein  
(AT4G26965) mRNA, complete cds

AAATGGCATTGTTCTTTGTTGAGTGCCTGAGCCTGAGGTTTTGGCCATTAGCACTTGTTTTTCATTTAATCATT  
TCCTTGTTGGCTGTTTTCCCTTTTCGAGTAAATTAAG

>trans\_c\_10796AF479149|Anagallis tenella 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

GGAGCTGGCTGGCGGATTGCAATGTCACCTCGCGCGGGGATGAATCCTCTGCAGACGACTGAAGTGACCAAG  
CGGGTCGTGTAAGCGGTCAGACGTCCTTGTTGTGACACA

>trans\_c\_10797AF258263|Brassica napus cultivar Darmor cytochrome P450-like protein (AL35708-  
BN-2) gene, partial cds

CATGACATTGGGACTGATAGAAACCAAAGCAGATGAATATATGCCGAAGTCCTCGGTTCCAGGACATATAACA  
ATGGAAGAAAAAGCTATCAACTTACTGCAAAACCGTCC

>trans\_c\_10798DQ250016|Petunia integrifolia subsp. inflata cullin 1-like protein C (CUL1-C) mRNA,  
complete cds



AAAAGTCGGCAGGAGTGTTACTTGCAGCATCTTCTGCCTGTTTGACCAGTGCTGTTTCCTTCAGCAGTTACATGC  
TGCTTAAATATGTTGGAAACTGGGTCCAATCCCTTCG

>trans\_c\_10799NM\_001072140|Oryza sativa Japonica Group Os11g0120300 (Os11g0120300)  
mRNA, partial cds

CGGTGGAAATGTACGGGAATCCCGGCGAGGAGTATCAAATCGAGGGGTGTTTTGGGCAGCGATTATGCACA  
GTTTTGAATGTTAGGAAGGAACCGGTGGCTACATATAGGG

>trans\_c\_10800GQ177614|Arabidopsis thaliana ecotype Nd-1 PHYA gene, complete sequence

AATGATAAAGAGCAAAGGAAAGGCTATCCAGATAGTTAATGAGACTGTAGAAGAGGCCATGTCCGAGACCTT  
ATATGGTGATAGTTTGAGGCTTCGTGGACTCCTATGAG

>trans\_c\_10801AF244554|Ginkgo biloba 16S ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast  
gene for chloroplast product

AAAACCTCTATCTCTAGAGTGTTACAGAGGATGTCAAGACCTGGTAAGGTTCTTCGCGTTGCTTCGAATTAAACCA  
CATGCTCCACCGCTTGTCGGGGCCCCCGTCAATTCCT

>trans\_c\_10802AY220570|Chlamydomonas sp. NDem9/21t-16w 18S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

ACGAAAATATCTCCGAGCTCTACTGCTGCTGCTTACTCCCTCCACAAATCCAATTACTTGCTTTGCAAATACCAT  
CAAACAACTATAACTGATTTAATGAGCCATTCGCA

>trans\_c\_10803XM\_002313176|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE912),  
mRNA

AGAAGAGAAGTGGACATTTGAGACAGGATGGGGATGAGATTGAGCTTGACATTGAAGCAGTTGATACCGAG  
ACCCTTTGGGAACTTGACCGGCTGGTGACGTGCCCCAAGG

>trans\_c\_10804GQ997714|Phoradendron serotinum voucher FLAS:M.J. Moore 332 ATP synthase  
CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

CTCCGCGCCGGCGGTTTTCACTTACAGACCGGTAAACTGCAGTAGCCACGGATACGATTCTCAATCAACAAGG  
GCAAAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGTCCCC

>trans\_c\_10805DQ768222|Prunus persica inverted repeat region IRB 1-27; chloroplast

CTGACGTTGATACACTTTTTAGTTATTGGGAGAACCCAAGTACTCTCTTCGGATCCAGGAAACAGCTCTCAGA  
GATCTTTTTTCTTTTGAAGATACAGGAGCGAAACA

>trans\_c\_10806Z14059|S.cereale mitochondrion fMet, 18S, 5S repeat unit DNA

ACGTGAGATGTTTGGTCAAGTCCTATAACAGAGCGAAACCCTCGTTTTGTGTTGCTGAGACATGCGCCTAAGG  
ATCAAGAGAAACGTTGGCTTCAAGCGGCTCCTCGGAGA

>trans\_c\_10807FJ357443|Musa ABB Group NPR1-like protein (NPR1) gene, complete cds

ACTAAGAAGGGTTGCACCCATTCTTGGTTCAAATCAACCATCTCTGATCCGAGATCGAATAATGAACTGAAAT  
TTCGCTATTGTGGAAAAAATGGGTGAATTATGATTT

>trans\_c\_10808AY081832|Arabidopsis thaliana At2g35260/T4C15.7 mRNA, complete cds

GATCCAGACCGATAACATTCTTGCTCCAATCATCACACACGGTATATATTCCGCCGTGATCCTAGGCCACGGAC  
TTTGGAAGATCCACGACCACCGGAGAAGGCTACGGCA

>trans\_c\_10809Novel Gene

GAACTACTATACTCAATTGATCCAATAACTTGACCAACGGAACAAGTTACCCTAGGGATAACAGCGCAATCCT  
ATCTCGAGACTTATATCAACGGCGAGGTTTACTCAAGA

>trans\_c\_10810Novel Gene

TCTCTCTCTCCTTCTCTCATATAGACCAGTTTTTTATTCGTTGAAGAAGTATAGTCTAGTTTTTGTGCTGTTTTT  
GGATGGGGGCAAGGGCCCCACCTCACCTGTGGTGT

>trans\_c\_10811Z78455|P.javanicum 5.8S rRNA gene and ITS1 and ITS2 DNA

ATGGAAGAGGGCCCTGTCCTTGTGAGAGTCATCACATTGTGACTTTCGCAACCTCTTCTAAAGAAATTTTTTG  
GTAACAATAACGGGTTTGACCCCCCCCCGTTTGT

>trans\_c\_10812BT029215|Arabidopsis thaliana At5g63760 mRNA, complete cds

CAAAAAGTTTTCTTTTTTTTTACCTGTTACCTGAAGATTAATTAGATTTTTATCGCGCCAGCGAGGAGCCCTCA  
AGATCTCCCAAACGTAATAGGACTGATGTCCATGTT

>trans\_c\_10813AJ538493|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BC2-M31-012

TTTGTCTAAGCCAATGAGCAGTTTGAGATGCATTTGCTGAGTTGAAGGTCAAGGAACTTAAGAATGGAAGGCT  
GGCAATGTTCTCCATGTTTCGGATTCTTTGTCCACCGAT

>trans\_c\_10814AY739702|Elaeis guineensis MADS box transcription factor (STMADS11-1) mRNA,  
complete cds

TAGGCTTCATTATCTGGTCAGTGTGGATTTGATCTTTTCCCATATGACTCGTTCCCTTGAAGCAAAATTGATCGT  
GCTACTTTTTCACAATCTCTCCCTTTGCTTTCAATC

>trans\_c\_10815FJ467934|Carica papaya transgenic cultivar SunUp tetA pseudogene, complete  
sequence

CCTCGGAAGGTCAAGTAGCTTCGCGTGGTCAAATACCTAGCGACAACTCCTATCTTCCTTTGTTACAGTAT  
TTCTGAACAAGTTGCTGGATAAGAAGCCTAAGGGTTT

>trans\_c\_10816NM\_112688|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT3G18060) mRNA, complete cds

AGCTGGAGTTCGGATGGAAAACGGGTGCTGACTGTCTCTGCTGACAAGACAGCAAAAGTCTGGGAGATATCT  
GATGCAGGTAATGGGAAGTTAGAGAAGGTTCTGCAGGAG

>trans\_c\_10817XM\_002867043|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

CTGGGGCTCGAAGTCTGTCTTCGAGTGAAAACAGTTGCATCATCAGTTCCTCCGGTAACGCTAAGCGGTGCA  
TCCATCCTCTAGGCTTTGGTTTCTGTTCAATTTTCTCA

>trans\_c\_10818EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete  
cds

TTCAATGCTTCTTCTTCTTCTTAAGACAACAAAACCCACCAAACCCCCTCTCTTTTCATCTCCTTAAGCTGTACG  
ACTAAACCACAATCAAGATGGGAAACGACACCGCT

>trans\_c\_10819NM\_128872|Arabidopsis thaliana SAR1 (SYNAPTOBREVIN-RELATED PROTEIN 1)  
(SAR1) mRNA, complete cds

AATTGCCTACTGCCAATAACAAATTCACCTACAATTGCGATGGCCACACCTTCAATTATCTCGTTGACAACGGT  
TACACATACTGTGTAGTTGCTACTGACGACTGTCCTG

>trans\_c\_10820AY551823|Gossypium hirsutum ultraviolet-B-repressible protein (UVB) mRNA,  
complete cds

CAGAGAAGAGCCCAAGAGAAAACCAAATGGCTTCAACTTCTGCTATTTCAATGGCGATGCCAATTACTAATGC  
GGCACAGCCTCTCTATCTCTCCGCCGAAGCCTTATAAC

>trans\_c\_10821AY109025|Zea mays PCO084350 mRNA sequence

AGAAATAAGTGAGGTGATTGAATCCATGATGGAGCGGTTAAAACTTTGAGTCGGAAGTCCAATGGTCAGTT  
CATAGCAGTCGACTTGAGGATTGAAATGTTGGGGACCCC

>trans\_c\_10822AJ428413|Calycanthus fertilis var. ferax complete chloroplast genome

AGATTATTCAACAAATTATCAACCGTACAACCTTAACATATGTATTTGAGTTGGTTTAGATCAATCCTAACCGGA  
TGATTATGAATTACTTCTATATTCGATATTAATCTAA

>trans\_c\_10823Novel Gene

CCGCCGAAGAAGGAGAACGCCGCCGAGAAGAAAGACGGAGGATTTGAGGGTGGGAGTTTCTCGGAAATGG  
CTGAAATGGCTGGATAAACAAAATTATGAAGTGCCCATTA

>trans\_c\_10824EF210140|Glycine max ethylene receptor (EIN4) mRNA, complete cds

TTAAAGACATGTGCCTCGGAAAAGTTTGAACAGTCTCTTAATGAACACGTGAACCATTCCGAAAATCGCAGTA  
CTGATATTCAACATTAAGACAGCAGGACGGTGGACATG

>trans\_c\_10825XM\_002324325|Populus trichocarpa glutamate-gated kainate-type ion channel  
receptor subunit GluR5, mRNA

AGGATGATGTGGCAGAGCCTAATGGTTCTGGGGCTATGCAGATGGATGGTGAATTGATGACGACGATTGCG  
AAGAAAATGATGGAGGTATGACAAGTTTGTGGACTAATA

>trans\_c\_10826AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete  
sequence

GGGGTAGAACTGGGTTGGGTAGACTGTTTTGCCAGAAACAATTTGCCATTTGAAAACCTCAAAGCACCTGA  
ACTACTCAAGTCACCAGACAATTGACACCCATGATTAC

>trans\_c\_10827XM\_002884574|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UDP-glucose:sterol  
glucosyltransferase, mRNA

TTCTAAAGCCCCGTCAAACCTTCCCAAACAATCAAATCAACCAACCGATTCCCTTAACTCTTTAAATCCCTTATG  
CACAGCAACAAATTCTTCTAGTGGGGTTGTCTAACT

>trans\_c\_10828FJ085313|Pinus taeda isolate 5143 anonymous locus 0\_9383\_01 genomic sequence

CAAATATTCAGCAGACTGGTCATCACGAGGAGAACCAGGATGTTGCTGTGGCTATCACGTTCTGGCTGGCTC  
TCAGATCCCTTTTGGGAATCAACATGAGAAATCTCAGT

>trans\_c\_10829EU908574|Solanum lycopersicum glucan water dikinase (GWD) mRNA, complete cds

CAATCCATTCTGAGCCAAATTTTAGGGGAGACCAGAAGAATGGTCTTTTGCGGGATTTAGGAAACTACATGAG  
AACGCTGAAGGCAGTTCATTCAGGTGCAGAGAGCTCCG

>trans\_c\_10830XM\_002884379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ANAC046, mRNA

GGGCCCTTATGTGTCTTGAGCTATATGACTTACGTCAATTATACTTAAAGCATTGTAAAAGACTAAAAAACTA  
TCAGCGGTATTAATAATTTTATAAATCTGTATTTTT

>trans\_c\_10831AY563907|Agalinis filiculis isolate afi2 maturase K (matK) gene, complete cds;  
chloroplast

TGATAAAAAAATTATATAAATTATCGACTCCATCCGACTAGTTCGGGTTTCGAGTCCCGGGCAACCCACCACG  
CCTTGCCGTACAGCAGCCTCTTACACAGTCAATGACC

>trans\_c\_10832AJ002479|Medicago truncatula ENBP1 gene, exons 1 to 12

ACTGGTTGTCTGAACTCCAACTCGGGTAGGGGAGTAGACGGATGGCTGGGCGGGGACTCACCTGGTCTGG  
GACTCGAAGGCGTTCGTGGTGAGCGTAAGACAGAGCATT

>trans\_c\_10833D50085|Cucumis sativus mRNA for NADPH-protochlorophyllide oxidoreductase,  
complete cds

ACCATCAATTTTTGCTCTCTGGTTGTTCCCTTTTGTCTAATGGCTCTCAAGCTGCTTCTTATGGACCCGA  
CGGAGGTGTCGAGCGAACGTCAACTTCGTCCTAGG

>trans\_c\_10834Novel Gene

ACCAAACAAGAAGAGCGCAAGCATTAAATTTCTGTCTTTATTCTCGGGAGACGTTAATAAAACACGAGAATG  
GCTAGCTGATGTATTAGTAAATTTCCAGCATCAGAAG

>trans\_c\_10835NM\_119162|Arabidopsis thaliana VLN4 (ARABIDOPSIS THALIANA VILLIN 4); actin  
binding (VLN4) mRNA, complete cds

ACTAAGCTATTTGGAATTGAGAAGGGGCAGCTGGAACCGCATGGTGACGGATCTCTGACAAGGGACCTGCTA  
GAAACAAATAAATGCTTATAAGATCTGACACCCAACTT

>trans\_c\_10836NM\_126449|Arabidopsis thaliana MATE efflux family protein (AT2G04080) mRNA, complete cds

ACAACCCCTTTTGGCCCTTCGCCACATCTTTGGTTATACTTTCAGCAATGAGAAGGATGTTGTGGATTACGTCGC  
CTCCATGGCACCTCTGATTTGCATATCCGTGCTACCA

>trans\_c\_10837NM\_100521|Arabidopsis thaliana ATP57; alpha,alpha-trehalose-phosphate synthase (UDP-forming)/ transferase, transferring glycosyl groups / trehalose-phosphat> (ATTP57) mRNA, complete cds

CAGCTTAAAGATGGCTTACCAGAAGATATGGAGATTCTCTATGTTGGTTCGTTGAAAGTCGATATCCAACCAG  
AAGAACAAGATGAGGTCTCCAGATTTTGTGGAGAGA

>trans\_c\_10838XM\_002326412|Populus trichocarpa heavy metal ATPase, mRNA

CAAGATAAAATTTTACTCACGGTTGCAGGCATTGCTGGTGAGGTTGACGTACAGTTTTTGAAGCCATACTTA  
GCAACTTGAAAGGGGTGAAACGTTTCTTTTGTGTCG

>trans\_c\_10839XM\_002330673|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP82L2), mRNA

CAAACTGGCGCTATGTACGCAAAGTAGCCATGCTCGGACTCTTCACTAACCAACGCATCGAGCAGCTTGAAC  
ACGTTAGAGCAGTCGAAGTTCATAGTTGGATGAAGGAA

>trans\_c\_10840AB204874|Phaseolus vulgaris Pvphot2 mRNA for phototropin, complete cds

AACCTCCTGATGCCAACTTGAGACCAGAAGATTTGTGGGCAATTCATTCTCAACCAGTCTTCCCAAGGCCTCAC  
CCTCCTACGCTGGAGAGAACTCAGTAGCGCACTCCTC

>trans\_c\_10841AY582181|Orobancha aconiti-lycoctoni ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) pseudogene, partial sequence; plastid

TACTACAATTCGGCGGAGGAACCTTTGGGGCACCTTGGGGTAATGTGTTCAACATTACGATCGGTTAGACGAT  
CTCGAGGATGCACACGTGGATCTACGGCACTAGACGGA

>trans\_c\_10842BT008446|Arabidopsis thaliana At5g25460 gene, complete cds

AAGGCGGAATCGACGAGGACAAGAATTATGTTCTTGAGCACATTCTACACCATGCGAAGCGATGATTTCTCGT  
CGCTATGTGTCAATTGTAGTTCGCCCTGTTCTAACAAC

>trans\_c\_10843NR\_022475|Arabidopsis thaliana (AT2G07752) tRNA

GGAACAGAGGTATATTCATCATGTCTTTTTGCTCCTGGTTAGGACATCTACTTTTCACGTCTTTGACACGGGTT  
CGATTCCCGTTATACGCGATGTGGCGAAATAGGAAA

>trans\_c\_10844NM\_120532|Arabidopsis thaliana glycosyltransferase family protein 47 (AT5G04500) mRNA, complete cds

AGTCTTTTATGGCGATTCTCCTTTCTCCCTTAAACCCATTGAAGACGCGAATGTATGGAGGAACGAAAGTGCCG  
CTTGCCAGTTGCTAATCCTGTTATCAATTGTGCTTC

>trans\_c\_10845NM\_001061687|Oryza sativa Japonica Group Os05g0306000 (Os05g0306000)  
mRNA, complete cds

TGATGACGGGCCAATGGAAGAACAAAGACAACGCTATGGACCACCTTTGTATAAACTTACAACAATGGTCCGC  
CTTATTCGACTCTGTATTTTCATTATCATGGAGACGGGG

>trans\_c\_10846AB491648|Dolichomastix tenuilepis chloroplast gene for 16S rRNA, partial sequence,  
strain: CCMP2494

TAACTGTGAGCGTGCGGGCGATACGGGCAGACTAGAGTACTGCAGGGGAGACTGGAATTCCTGGTGTAGCG  
GTGAAATGCGCAGATATCAGGAGAGGATTTTAGCTTGCGG

>trans\_c\_10847NM\_112922|Arabidopsis thaliana ERF7 (ETHYLENE RESPONSE FACTOR 7); DNA  
binding / protein binding / transcription factor/ transcription repressor (ERF7) mRNA, complete cds

TTTCTGTCACCACCTTGTAACCATGCCCACCGTTACTTCACGTCCATTCCCAAAAACAGAGTCTTGGGGATTG  
CTGCACTCCTCCACGATTGCCTTCCATTTTCAAATT

>trans\_c\_10848AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

AACTCCCATAAAGGTAAAAGAGAAGCTTCTTAAGGGAAGTTGATAAATTGAAAAATAACGAATAAAATTCGT  
GGAGTTGAAGGGAAATATCCAAATACATGTCTTATTTT

>trans\_c\_10849Novel Gene

GTTACCCCTCCTTCACTTATGATGGGTATTGGTATTGCAATCAAAGTCAGATGGCATAGTTATATTGCTTTTTAA  
GATTACTTTTAGCTTTTGTCAATTGTCCCCCTTTTC

>trans\_c\_10850GU228585|Zea mays cultivar 18-599 trehalose-6-phosphate synthase-like (TPS2)  
mRNA, complete sequence

AGAGAGGGGAACATCCCATGAACTCTGATATGACTAGCATGCTCTTTTGTGGTCCATTTGTTTCTGTGCTATAT  
TCTGATCCAGAGGTTCCCTGCCTGCAGACAACGTACT

>trans\_c\_10851XM\_002332200|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP81S11), mRNA

AAGGGGAGAGTGAGGAGGCGAAGGAATTGAAGGAGACGATGAAGCAAGTTCCTCTTTTGAGTGGAGCTTCG  
TATCCGGCAGATTTTTTGAGCCATAACTTTAACTAAAGGG

>trans\_c\_10852FJ719573|Liquidambar acalycina isolate La5 chloroplast chlorophyll a-b binding  
protein 4 (cab4) gene, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

ACCAAATGAATGTGGTTACCCTGGTGGGATTTTCAATCCCCTGAATTCGCTCCAACCTCTCGAAGCTAAAGAGA  
AGGAACTAGGGTTACCCTCTGAACGCTACAACCGCAA

>trans\_c\_10853Novel Gene

TTATGTCGAGACAATTAAAGCATTTATGGAGCTGAAAGATGCCTCATCTAACTTTCCATTCTTATGATCATTCGC  
CAATGATGATGGAGTAGCCTTTGAAATTGTTGCATC

>trans\_c\_10854NM\_001049678|Oryza sativa Japonica Group Os01g0504500 (Os01g0504500)  
mRNA, complete cds

AAGACTGAATTTAGCTGCTAGTTCAAAAGCCCTTTCTCTCTAATAATCAGGTCCGCTTTGAAGCTCCAACCTAT  
GTGGAAATCCAATTCGATCCGTCGGATATCAAGGTC

>trans\_c\_10855Novel Gene

CTTCAAAGATCAAAGGAGTTAGAAAGAAGAAAGCCTAGGCATAAAGATAGCAGAGACAGCAGACGAGGGCA  
ACCTATCTGACTAATAGACCAACAAAAAGGGAAGTTTTCT

>trans\_c\_10856BT012149|Arabidopsis thaliana At4g13160 mRNA, complete cds

TCCATTCAGGACTCAGATAAGAGAGCAGGAACTGATAACAACCAATCTCGAAAATCAGATGCAGATAAAGGA  
ACAAGAACAGGAGGCCAAAACCAAACACTCTGGATAGA

>trans\_c\_10857NM\_001065206|Oryza sativa Japonica Group Os07g0100500 (Os07g0100500)  
mRNA, complete cds

CAGAACTACGGTACTCTCGAAAGATTTACTGCAGAGAAGGCCCTCTATTTCTGAATTAAGTGAATCAGTGA  
ATCACGTCTTGGTTGCTTTGCAACACGCCTTCGTGCCT

>trans\_c\_10858XM\_002862932|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phloem protein 2-A8 (ATPP2-A8),  
mRNA

CCTCATGCTACACATGAATATAGTCCCTTGATTTCTGGTTTTACGAACATGTATCCATCCGCACATCGAATGACT  
TCTTCGGAATGGCTTCGTCCCCCGAGGAAAATCCC

>trans\_c\_10859DQ455367|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BT21M34\_304 sequence

GAAGGTAAGGCTTTCTGTATATCCACGTCGATGTTGGTTTGGATGCAGCTGCCGTTTCGTGAAGCAGTTGTTA  
GAGTTATGGAGCAAAAGGGCATATCCGCGATAATTTCT

>trans\_c\_10860FJ936170|Macadamia tetraphylla chloroplast acyl-ACP thioesterase (FATB) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for chloroplast product

CAAGTTTGACGATGATTTGACTACATCACCTCCTCCGAGGACTTTCATTAACCTACTACCTGACTGGAGTATGC  
TTCTTGCTGCTATACCACCATCTTCTGGCTGCTGA

>trans\_c\_10861DQ226746|Boechera divaricarpa isolate SLW-A-F10 mRNA sequence

AGAGAAGGGTTTGAAGGATGATGAATAGTAATACCACCAAAACGATGCGTTTACCTCCTCGTAGATTAATGAC  
GTCACCTAGGCCCAACCCACCACACACACCGTCCT

>trans\_c\_10862Novel Gene

AAAGAGAATTACTGGTAAACATTTATTGAATGTCCATTACTTTGTCTTTTGATGGTTTGGATGAAATAATTACTT  
GTTAGCTATAATGTTAATGGTAGTTTAGAGATTTTC

>trans\_c\_10863EU669439|Vitis hybrid cultivar Regent VRP1-1, VRP1-2, and VRP1-3 genes, complete  
cds

ACGCGCAAAACCTTACCAGCCCTTGTGTATACTTGTCTTTTGGACAGGAATTGCCCTACCATTAAAGTATGTC  
CACGACGTACCGACAGCAGTCGAGCACAGCACAGATG

>trans\_c\_10864XM\_001694201|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TGCTGAGTGCTACTGTATTGGTCCCTGCATCCACAGTAGTGATAGCCTCTGAAAAACCCTGCAGGAGAAAGGA  
AAGAATAATGAAAATGCAACTCCTCAGTCTGTTAGGAC

>trans\_c\_10865Novel Gene

CCGCCCCGAGTCCCTGACGCTCCGCTAGCAATCCTTTCCACATTGGCCTGGTATGAGCGGTAAACAACCTAACC  
ATCTTAGGAAACGTCTGCTGAATTTATGCGCTGTGAA

>trans\_c\_10866NM\_001074581|Oryza sativa Japonica Group Os11g0544000 (Os11g0544000)  
mRNA, complete cds

CATCTGAGGAGCTTGTGAAATCAATAACTGAGATTGCTGATGATGTTAGACCTACCTCTGCAGAACTACTAG  
AACAATCATTGAGGTAAATAGCAAAGCATTATTAATGT

>trans\_c\_10867EU269756|Pinus monticola WRKY transcription factor PmWRKY108 mRNA, partial  
cds

AGAGAGCCGAGAGTCGTCGTCCAACTACCAGCGACATCGACATTCTCGACGACGGTTACCGGTGGAGGAAG  
TACGGCCAGAAAGTTGTGAAGGGAAAAAACCCGAACCTT

>trans\_c\_10868DQ787084|Glycine max bZIP transcription factor bZIP107 (bZIP107) mRNA, partial  
cds

GATGCGGATTGAGACGGTGGATTAACCAGGATGTGGAGGTGTATGCTTGATTGCCATCGTGCCAGTACCAA  
GCGATCAGTGAATCAAAAAGGAAGACAGAACAACCTGCCT

>trans\_c\_10869FJ907316|Jatropha curcas phospholipase D (PLDa) mRNA, complete cds

TAAGCAGAAAGCAAGTGAAGGGGTCAGGGTTCTTATGCTTGTCTGGGATGACAGAACATCAGTCGGTTTACT  
TATTTTCTACCAAACCTACCGATGAGTGTGCGAGGAGGGT

>trans\_c\_10870NM\_116485|Arabidopsis thaliana TOC159 (TRANSLOCON AT THE OUTER ENVELOPE  
MEMBRANE OF CHLOROPLASTS 159); transmembrane receptor (TOC159) mRNA, complete cds

AGATAAGGGTGAAATTTTAAAGGCTTGTTAGAGACTAGGTGTCTCTCCAGATGATTCATTGGTAGCACAGGT  
TCTATATCGTTTTGGGCTGTGCTAACCATCCAGTACTG

>trans\_c\_10871AY050459|Arabidopsis thaliana AT4g36870/C7A10\_490 mRNA, complete cds

GCTTCCCCTGCTCAAGCTAGCATGGTGGCAAACGGACAGTTAAGACCCGAATAATAGTAGGGAAAATGACAG  
ATACCTCCACCATCACGACAACAGGGTATCGATGCAGGT

>trans\_c\_10872AB252057|Brassica napus gene for 16S rRNA, partial sequence

CAAAAAATTGATCGTAGTCCGGATTGGAGTCTGCAACTCGACTCCATGAAGTCGGAATCGCTAGTAATCGTAG  
ATCAGAATGCTACGGTGAATACGTTCCCGGGCCTTGTA



>trans\_c\_10873AY831395|Oryza sativa (indica cultivar-group) BTH-induced ERF transcriptional factor 4 (BIERF4) mRNA, complete cds

AGATTAAGGATGCCTTGATCTAACTGGGATGGTAGAGCTCCCCCTGACCGAGTCCTCGCTGGCATGGCAGG  
GAGGTTGCTTTCCTTCGCTTTTGAGTCCCACTGTCGCAG

>trans\_c\_10874NM\_001053952|Oryza sativa Japonica Group Os02g0613000 (Os02g0613000)  
mRNA, complete cds

GATGGAAGAAGGTTTGGATGAAAGTTAGTGTTGAAAATGGTGGTTTAGTAGAATACTTCTTTGGTGAAGACG  
GAAAAGGCTCACTTCACCAGGTAAGTCCACAGGTCAGAC

>trans\_c\_10875XM\_002863351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

CTTCGTAAATCTTCTACAACAGAACAGCATTACCTTCGAAGTTATCAAAAACGAATTCAGAAACATTCTCAGTG  
AGACAGCCTCTGAAGCTCGACGCCATTCTGCAATTG

>trans\_c\_10876NM\_113631|Arabidopsis thaliana CLC-B (CHLORIDE CHANNEL B); anion channel/  
voltage-gated chloride channel (CLC-B) mRNA, complete cds

AAAGAGTGTTCCAAAAATGGGAAGACTGATGGAATAGTTGTTGTGGATGGAGAAAACAGAGAGGACACGTG  
TAGTGAAATCCGCCGGCGGCTTTGCCACAACAACCACGGG

>trans\_c\_10877XM\_001695661|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTTCAGCGGGCCAGGACGCCATCGGAGTCCCCCTGGGGGTCGTTTGCACTGCGGAGACGCGAGCCGTCGCAA  
GTTGGTCGGTTTGGCAGTCGCGTGCAGCCTTGCGGGCAG

>trans\_c\_10878GQ917181|Glycine max cultivar Kefeng No.1 rubisco activase (RCA03) mRNA,  
complete cds

AAAGGATGTTTCAATTGCCAGCAAAGTAATGTCACACAGATTTTGAAGTTCTATGGCTACGGGAAAGTCTTTCA  
AACTGCCTTTAGAGGATCCGCAAATCACCTTAGCA

>trans\_c\_10879FJ830452|Glycine max 1-deoxy-D-xylulose 5-phosphate synthase 1 (DXS1) mRNA,  
complete cds

AAAGTTGCCCCGTGAGGTTTGAATGGATAGAGCAGGCTTAGTTGGAGCAGATGGCCCCACTCATTGTGGTTCT  
TTCGATGTTACGTTTATGGCATGCCTGTTGCGGTGCAAC

>trans\_c\_10880Novel Gene

GGGTGGTTTGCTGATCGGCGAAGCGATTTCGATGTCGGTGATATGGCGGCTTATGATGCCGGATACGATGC  
TGGTTTTGGTGATGTCGGGTCGGGAGCCCGAAAGGGAAG

>trans\_c\_10881NM\_123819|Arabidopsis thaliana ribose 5-phosphate isomerase-related  
(AT5G44520) mRNA, complete cds

TAGCTGAAGTAGCAGAAAGTCTTGACCAGATCGATGGAGTCGTGGATCATGGAGTCATTTCTAAATTTCCATG  
CACAGCAGTTATTGCAGCAGAGGACAACCTCATGGTAAT

>trans\_c\_10882EU563917|Oryza sativa Japonica Group Pri-miR1850\_1, complete sequence

TGCGAAATCAGGTCTCAGCCATCTCTCCTGGCCTCATAGAGAAGATTAGAGATGTCAACATGCCGCCCGTCAG  
ACATATGCTTGTCAATAAAAAATATTTAATCATCGGCCA

>trans\_c\_10883DQ455461|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BT34M23\_408 sequence

GCGCCAGCTGTGCAGCAGGGTAGCTAAGTATGGAATAGATAACCGCTGAAAGCATCTAAGCGGGAAACTAAC  
CTCAAAACAAGGCTTCGCTGAGAGCTCACCTTCTGAGTT

>trans\_c\_10884AB059832|Nicotiana tabacum MARBPF mRNA for MAR-binding protein, complete  
cds

CCATTGCTCCTAATTTGACTGCACTTGTCGGGGAGCTTGTTGGTGCCCGCCTAATTGCCCATGGTGGAAGTTTA  
CTTAACCTTGCTAAGTGATTGAGAAGCACAGTGCAGT

>trans\_c\_10885NM\_121194|Arabidopsis thaliana catalytic (AT5G11560) mRNA, complete cds

CGGGGAAGGAGATTAGTTCATCAAGCCAGACTCACTCGATTGTAAAAGTTATTCCACTTCCATTTACTGATTCA  
ACAGAACGACGCCTCCATATTTTAATAGATATCTCTT

>trans\_c\_10886GQ998293|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 ATP synthase CF1 alpha  
subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

TATCTCCGGCCGGCGGTTTTCACTTACTCAATACAAAACTGCAGTAGCCACGGATACGATTCTCAATCAACAA  
GGGCAAAATGTATATACACAAATACATCGATAACCAG

>trans\_c\_10887XM\_002888766|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal  
domain-containing protein, mRNA

GAGTGAAGCCAAAGCCAAATTCCAGCAGATTCAACAAGCTTATTCAGTTTTGTCGGACCAGAGGAAGAGAGC  
AATGTATGATGCTGGGTTCTATGATCTTGACGACGATGA

>trans\_c\_10888XM\_002873868|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

TACCGACATGTGGAAGATACGAGATTCTTATCCTAATTCCCGATTCTCCAACCTCCCGATCTAGGCTCTCGCCGA  
AACGCAAGCTCGAAGAGGAATCGTCCACTAAGCACCA

>trans\_c\_10889XM\_002873222|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata FAD linked oxidase family protein,  
mRNA

AGTTTTCCCTGTTTCTGGTTGTTGGTTTTTGCTTTAAGCGATTGTTTTGCTGGTGGGAACGAATAGGATTTTTTG  
GGGATCCAGAATCTCGATTATTTATTGAGTTGGCT

>trans\_c\_10890FM992562|Cylindrocystis sp. M3004 chloroplast partial 23S rRNA gene, strain M  
3004

CTTGTCCTGACCAGTAGTATAAGACCCGCATTTGCGGGGAGAACCAGCTAGCTCTGGGTTCGAGTGGCATTTTC  
ACCCCTACCCACAGCTCATCCCCAGGTTTTCAACCCT

>trans\_c\_10891Novel Gene

GGATGAGGCACCCGTAATACAAGTCTATACACTGAGGGAGCATCAAGAGTGTATAAAAAAGATTAAAGATA  
CTCTAACCTATCAACTTAAGATTATGCGTTCACTGTTAT

>trans\_c\_10892DQ001734|*Dracaena sanderiana* voucher P.M. McNutt 011 (FLDCI) 16S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; tRNA-Ile (trnI) and tRNA-Ala (trnA) genes, complete sequence; and 23S  
ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

TAAGTGGAACGCATTAGCTGTCCGCTCTCCGTTGGGCAGCGGAAACTAAGAGGAAATGGCTGTCTGCCTCC  
GGGGTTGATGCCTCCGGAGTTGATCTCTATGCCTCGTCC

>trans\_c\_10893NM\_127781|*Arabidopsis thaliana* binding (AT2G22125) mRNA, complete cds

AGCTCTTATGATATATGATAGCAAAGAAGAAGCCACCAGAGCATCAGATCCTATAATTGTTGAACAGACTTTA  
GTAAAGCAGTTTGGATCTTTAGCATCAGCTCTTATGAT

>trans\_c\_10894XM\_002891107|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* At1g31330/T19E23\_1, mRNA

TCTCCTCCATCCTCCTCTCCGCTCTCTCCCGCCGTCGCCGACATCTCCGGTCTCACCCCCTGCAAGGAATCCA  
AGCAATTCGCCCTCTTTCTCTACTACTCGAAAGA

>trans\_c\_10895EU581818|*Hevea brasiliensis* calcium-dependent protein kinase 1 (CDPK1) mRNA,  
complete cds

GATCCAAGGCCTGAAAGCAATGTTTACAAACATGGATACCGACAAAAGCGGAACCATCACTTATGCAGAATTG  
AAGTCTGGACTGGCCCGACTTGGCTCAACACTAAGTGA

>trans\_c\_10896NM\_001063004|*Oryza sativa Japonica* Group Os05g0587300 (Os05g0587300)  
mRNA, complete cds

TCAGGGCAGCCAGATCAGTTTGAGTTGCAGAAGTTGAAGTTGCTTGAGAAGATATTGAATCAGTGTGCAGAT  
GCTCGAAAAGCCGGTGACTGGAAGAGTGCTTTGACAAGG

>trans\_c\_10897Novel Gene

AGAAAGCAAGTGAGGCGGGCTAAGCTTCCATTCTCAGTAGAGTTTCAGATAGAGGATTCGATCTTGGACCTCT  
CGGGATCCGGTTCGAGGAAAGGTCCGATCCACCGGCCG

>trans\_c\_10898AJ538640|*Nicotiana tabacum* cDNA-AFLP-fragment BC32-M2-001

ACAGGGTAAGCTTGATAATATCCTCCCCCTCCTCCATTCATCATTGGTTGAGCTGGTAGACCTTGTAAGTCTGG  
AATGTTACCCATCTGATTCATTGCATAATTTCCATT

>trans\_c\_10899EU823324|*Arachis hypogaea* malonyl-CoA:ACP transacylase 1-3 (MCAT1-3) mRNA,  
complete cds

AAGAGCCCCTCAGTTTGACCAGCCTGAGTCCATCCTCAAACTGAAAGCCCCTGCAAATGCTAGAGCAGTATA  
CTCTCCAAGCTTAGACCACAAGTGACATCAACAGAGT

>trans\_c\_10900NM\_001061046|*Oryza sativa Japonica* Group Os05g0123200 (Os05g0123200)  
mRNA, complete cds

CATGGACCCGAACAATCCCCGCTGGGGATGGAGTTGGTTAGAACGATGGATGGCCGCTCGTCCATGGGAAAC  
TAAGAGCACAATCGATATAGTGCTAGCTGATCTTCAGTT

>trans\_c\_10901Novel Gene

CGAGTTCTATCGGGTAAAGCCGATGCTTATTCTTGCTGAGGTCGAGGAACCAGTTTTCTCCATCAAATTCCAGG  
TAGATGCTAGGCCTTCTGAGGAATACAGGTTTAGGTT

>trans\_c\_10902DQ014509|Eucalyptus grandis cellulose synthase 5 (CesA5) mRNA, complete cds

AGTGCGAACCACATCTGGTCCTTTGGGTCCTCCAGAAAAGCATATGCAGTCCCATCCATATGTTGACCCACGG  
CAGCCAGTTCCCGTGAGACTTGCAAGCAAAAGTTTTTG

>trans\_c\_10903NM\_001068087|Oryza sativa Japonica Group Os08g0326600 (Os08g0326600)  
mRNA, complete cds

TTCCTGGGCCTGGTCTTGCTGTACGGGTGCTGGGCGATGTAACAGAAGGCAATGCATTAGAAGTTCTTCGCCA  
GGTTGATGAGATTTTTATTCAATCGATCAAGCTACGCA

>trans\_c\_10904AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

TGAGTGAGTTGGAGTTGTTGCTTGAAGCAGAAAAGTACAGAATTCAAGAGCTTGAGGAACAGGTAAGTACTT  
TAGAAAAGAAATGTGGGGATGCTGAAATGAGGGTTGGAA

>trans\_c\_10905AB548360|Torenia fournieri TfCAB3 mRNA for chlorophyll a/b binding protein-like  
protein, partial cds and 3'UTR, complete sequence

CCTGAACTCCTTGCAAAGAATGGCGTCAAGTTCGGTGAAGCAGTTTGGTTCAAGGCTGGTTCACAAATCTTTA  
GTGAGGGTGGCCTAGACTATCTTGAAACCCAAGTCT

>trans\_c\_10906NM\_180880|Arabidopsis thaliana PHOT2 (PHOTOTROPIN 2); FMN binding / blue  
light photoreceptor/ kinase/ protein serine/threonine kinase (PHOT2) mRNA, complete cds

AGAGCTTCAGTATTTTATTGGTGTCAACTAGATGGAAGTGGCCACGTGGAACCTTTGCAAACCGTCTTTCTG  
AGACAGCAGAGATGCAAAGTGCCAAGCTGGTTAAAG

>trans\_c\_10907L07119|Gossypium hirsutum chloroplast photosystem II chlorophyll A/B-binding  
protein gene, complete cds

ATCGAGCACAATGGCTCTTTCCTCCCATCTCTGGCCGGCAAAGCCGTGAAACTCTCCCCCAATGCCCTGAAA  
TTCAGGGAAGTGAAGAATCACCAGTGAAGGGGTTG

>trans\_c\_10908GQ998646|Plumbago auriculata voucher FLAS:M.J. Moore 306 23S ribosomal RNA  
(rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TGACAAGAAGCGCCGCTCCTCTCGCCTGATCTCAAGCACCGGAAGATATGCAGACATCTTCTTTGTTGAAGGT  
CGTTCGAGCTTTTCCTGGGAGTATGGCATGGGTTAGT

>trans\_c\_10909Novel Gene

GACAGTCTCAGGTAGAGAAGATGATGATATGTATTGTCGCCCCAGTCTTAGTTGCATCTTGGGTGCACTATGG  
TGACTGACAGAGTATCTGATTCAGCGATCCAATCAAT

>trans\_c\_10910NM\_001063690|Oryza sativa Japonica Group Os06g0218200 (Os06g0218200)  
mRNA, partial cds

ATTGTTTTGTCAGATCCACCTCCATTCAATCCTCTGTTTTCTCCTCCATTATTATCTCTCTGTACACTCCTTTGTTTC  
TCCCCCTCAGAGTCCCTACGCAGATAAAGGGA

>trans\_c\_10911NM\_103848|Arabidopsis thaliana ATRBP47A (Arabidopsis thaliana RNA-binding  
protein 47a); RNA binding (ATRBP47A) mRNA, complete cds

CATGATGCACCAACAGCAGATGATGATGTATCCTCCTCAGCATTATATGGCGTATTCTCACCATCCTTATCAAC  
AGCAACAACAGCACACTGAGATCTGGAGACTGTAC

>trans\_c\_10912HM626509|Sequoia sempervirens glycine-rich RNA-binding protein mRNA,  
complete cds

TCTCTCATTGTTGGTGATATCGTTGAAGCCAAGAGAGCATAGCGATCGTGAAACCGGAAGGTCGAGAGGATTT  
GGATTCGTGACGTTTTCCGAGGAGAGCATTGCAGAGGA

>trans\_c\_10913AF033624|Plagiochila porelloides 23S ribosomal RNA gene, partial sequence;  
internal transcribed spacer 2, 4.5S ribosomal RNA gene, internal transcribed spacer 3, and 5S  
ribosomal RNA gene, complete sequence, chloroplast genes for chloroplast RNAs

CTACTGCGGTGACGATACTGTAGGGGAGGTCCTGCGGACCAAATAGCTCGACGCCACCTACGGGATTGTAGT  
TCAGCCAACACTCTACAATAAAGTGAAACATAAGTGTC

>trans\_c\_10914U94785|Helianthus annuus unconventional myosin (hamy5) mRNA, complete cds

GCAGTTGCGACGGGAAGCAGCAGCTTTAAAGATCCAGAAGTGTTTCAAGCGATATATTGCCAGGAAATCATA  
CTTAGATTTGCTCTCATCTGCAATCAAATTGCAAACAG

>trans\_c\_10915EF584901|Glycine max OAS-TL4 cysteine synthase (OAS-TL4) gene, complete cds

GATACCTATCCTCCGTCCTTTTCCATTCAATCCGAGAAGAATGTGAAAACATGCAACATGAGCCATGAAGTACC  
ATTTTATAATCTGGAAGTGTTAAGTAGTGTGTGGCA

>trans\_c\_10916XM\_002502764|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6 ATP-binding cassette  
superfamily (MICPUN\_59198) mRNA, complete cds

GTCTTTGACCCGCACTATGGTTGCCGGGACTTTCATTGCTAGTAGACGTTGCCTAGGGGTACTCCTCCCGAC  
ACTTCTACGCCTCCTCTCTACGTCCCGTCCGCATGT

>trans\_c\_10917Novel Gene

CGAGAAGCTTGAACCGCGACTACCCAGAAAATCAATTCTTAGATTCCCGGAAAGGAATGGTTAATGCGAGA  
CCTCGGAGTCTGGAATTTTCTTCATGGGTTTATCCTGA

>trans\_c\_10918Novel Gene

TTCTGTCTCACGTCTCTCGAAGAGAGTCTCCTAGTCGTGTGGTTCATCTTGTTAGCTTGGTTGATAGGTATGCA  
GAATCTGAGGGAAGTAGCTGAAAAAGAAGCCATTAC

>trans\_c\_10919NM\_102730|Arabidopsis thaliana CARB (CARBAMOYL PHOSPHATE SYNTHETASE B);  
ATP binding / carbamoyl-phosphate synthase/ catalytic (CARB) mRNA, complete cds

ACGAGCTGAGTTATATTGACAAGTGGTTTCTTACTCAGTTAAAGGAGTTGGTGGATGTCGAGCAATACCTCTT  
GGCTCAAAGCTTATCGATAGACTGTTTCCTCCTAAAA

>trans\_c\_10920NM\_001057614|Oryza sativa Japonica Group Os03g0717000 (Os03g0717000)  
mRNA, partial cds

GGGTTTTGGAAGTGTTCACAAGGGAGAATTGCACGATGGTACAATGATTGCTGTGAAGAGAATGGAGTCTGG  
AGTCATAGGTGAGAAGGGTTTCTTACTTAAGTTCTGAC

>trans\_c\_10921AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

ATAAAGTAAAAGTATAAATAAACAGACTCCACACACAGGAATCTGTCGATATTTCCGATTAAATCCTCTTGTTT  
GTAGACGTTCTATAGTATTTTAAACGATAAAGAGAA

>trans\_c\_10922AB003038|Nicotiana tabacum mRNA for BY-2 kinesin-like protein 10, complete cds

GGATCGGGTTTTGAGAGATGAACGGAATGGGGAGACAAGGCCAGAGATCTGGAGCAGCTGTGAGGAATCAC  
CAAAGACAGTACTCTGATGACTACTTGAGTATTAGCAGT

>trans\_c\_10923Novel Gene

AGTCGTCGTCGACTTCTTTTTCGTTGTTGGGTTCATTTCCGAGCTTCAATTCCTGAACTTTCAGATGCCCAGCA  
GTATACTTAGCTCCTTTGCGTTCCTCTCGTCTCCT

>trans\_c\_10924NM\_100198|Arabidopsis thaliana FZL (FZO-LIKE); GTP binding / GTPase/ thiamin-  
phosphate diphosphorylase (FZL) mRNA, complete cds

ACGCGGTAGTAGTGTCATGTACCCACACGCCCAAGTTCTAAGTTGGGTTTCCCATTTGCAGATAGTTCAAAG  
CTTAGCAGCACGAAGTGCTATTAAGAGAGCTTTCTG

>trans\_c\_10925NM\_001072856|Oryza sativa Japonica Group Os12g0183100 (Os12g0183100)  
mRNA, complete cds

GAAGCCTCCACTTTCAGAGTTATTCAATGATGTCTATGATCATTTACCTAAAAACCTTCAAGAACAAGAAGAAG  
TACTAAGGCAAACAAGGAAGAGACATCCCCAAGATT

>trans\_c\_10926Novel Gene

AGTCGTCCTCAGAATCCATCAGATTACTGAAATCGAAACTAATCACTCTGATTTCTGTGATGTACAGCACGAA  
GTTCTAGGTTGTGAAGAGACGAAAGCTCCGGCCACC

>trans\_c\_10927AM262927|Phillyrea latifolia partial mRNA for 4-alpha-glucanotransferase precursor  
(ophe-28A gene)

AGAAGGGGTTGTTACTGAGTCCTGTTACCAAGGAGATCAGCTTATATGGTGTGGAAGTATTGCGGTGTCTAA  
TGGATTTGAATGTGAGTACACGGCGGCGTGGTGTGGC

>trans\_c\_10928EF207453|Peridiscus lucidus inverted repeat B, partial sequence; chloroplast

AGTTCCTTCGGAAATGGTAAGATCTTTGGCACAAGAAGAAGGGGTTGATCCATATCATCTTGACTGGGTTCTG  
ATTTCTCTATTTTTTAATAATACCGAGTTGGGTTCT

>trans\_c\_10929NM\_001068162|Oryza sativa Japonica Group Os08g0359000 (Os08g0359000)  
mRNA, complete cds

AACCAAATGATGAGCGTCTTCCAAAGAAGACGTAACCATGATGCAGACCTAATAGCTTTTAGCAACTGTGGAT  
TAATTTTGGTCGCCAATGGTTCTATTATTGTTGTTGT

>trans\_c\_10930Novel Gene

GGAGTCGAGTTCTGTTGGGCCTCGCTTTCTGAACATTGATTTTGTATCTAGCTTTACATTCAATGAAGTTCGATC  
CCATTGTGAGGCCGAGACGAACGCCTCTACAGTAT

>trans\_c\_10931XM\_002892087|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AAA-type ATPase family protein,  
mRNA

AACAAAGAAACACCAAAGCGACAAAGCAACTTAGTCGGCTCTTTCCTAACAAAGTGACAATATTACCTCCTC  
AGGACGAGGCCTTACTCCTAGACACCTTCGTTGTATC

>trans\_c\_10932XM\_002876630|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata universal stress protein family  
protein, mRNA

GGCGCCCCATGGCATCCCATTACCAAGGTATCGGCTCCAAGCTTCTCCACCGTGCGACATATCGTACCCTTCGC  
ATCTCCCTTCCCACTACTCTCTCCAAATTTACCTG

>trans\_c\_10933NM\_116481|Arabidopsis thaliana AAA-type ATPase family protein (AT4G02480)  
mRNA, complete cds

GTAGAAATGATGAGTTTAGCATCCTTAACCAACACATCAGAAAAATGCATGAAATGGTGACTCAAAGCCCAGC  
CTACAACTTTCTCAACGGTTTCAATTGTTAGTGCTTG

>trans\_c\_10934Novel Gene

AACACCAACCAACTCTCCGTCTGTCTTGTAACCTTTTCTTTTCTAATTTTTTACTTTAAATTTCTCTCTAGAT  
TTCATGTCTTTGGAATGTTATTTTTCTTTTC

>trans\_c\_10935Novel Gene

CAAGTACATTTTCATCGATGATGAGATGGCTGGATGAGCTCTTGTCTCTGGATGATTCTGAGTTAAATGCTTCA  
TTAGAGTCCTATAAGCTAAGCCTAGCAGTGCGAAAT

>trans\_c\_10936EF392855|Arachis diogeni S-adenosyl methionine synthase mRNA, partial cds

GCCCTCTGAACCTGTTACACAAGCATGTGTTGCCACTGGCGACAATGCTCTTAGCAGCCTGTCTCACAATGTA  
GGCACCACTCCTGTCGACCTTGGTGGGATCCTTTCC

>trans\_c\_10937XM\_002877444|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat family protein, mRNA

ATGATTTTCGCTGCCCAATTTCCCTGGAGTTGATGAGAGATCCTGTCATTGTCTCAACTGGACAGACCTATGAA  
CGTTCCTGCATTGAGAACACCCACACTGTGTTGCAC

>trans\_c\_10938U15930|Lupinus albus tRNA nucleotidyltransferase (CCA1) mRNA, complete cds

CACTTCAATCTCCAAACCCAACCTTCGTGTTGCTGGCGGTTGGGTTCGTGATAAGCTTCTCGGCAAAGATTGTTA  
CAGCGCCAGCGCTATCTCAAGCGGCGCACCACCATC

>trans\_c\_10939XM\_002892812|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAGAAAGTGGAAGTGGTCTTCATCTAAAGACAGCAGATGAGCTAATGGTGATGGCACACAAGTACTATGATA  
GGGCCATGCCATTGGGATCAACAGTGAGCCCCAAAATG

>trans\_c\_10940FJ197999|Glycine max retrotransposon gmp1-129o3-re-4, complete sequence

GCCATCTAGGGTGCAGCACTCGTGGAGATAACGATACTGGTGTATCAACTGGTCTAAGTTCATCTATGTGTTT  
CCAGGTATCAAGTCCATTAGAGTCTTCTGCAACCTTA

>trans\_c\_10941XM\_002322673|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 7 (CPK7), mRNA

ACTTTTTCCTTTGTTTCAGATGTGTCAACAAGCACGGCGTCATGCATCGGGACCTTAAACCAGAGAACTTTTGT  
TTGGAAACAAGAAGGAAAATGCACACGGTTTCCGGG

>trans\_c\_10942tpg|BK006567.1|TPA\_inf: Zea mays ARO1-like protein 3 gene, complete cds

TTTAGACCTCCGGCTTACGGCGATGACTATATAGGATCGGACGTCTGTGAAGGACCCAACCATCACGGAGAG  
CGTTACTTCTCATCATCGCAAGAGGAGGCACCCCTTCT

>trans\_c\_10943FJ085269|Pinus taeda isolate 7970 anonymous locus 0\_9359\_02 genomic sequence

ACAGAGGGTTAATCCTTAAAAGTAGTCTCAGTTCGGATTGTCCTCTGCAACTCGAGGGCATGAAGTTGGAATC  
GCTAGTAATCGCGGATACTACGTAATATTGTATATAT

>trans\_c\_10944XM\_002302536|Populus trichocarpa potassium efflux antiporter, mRNA

GGACGTGCCTTAGACCTTCCAGTGTATTTGGAGACGCAGGAAGTCGAGAGGTTTTACACAAAGTCGGTGCT  
GAAAGGGCATGTGCTGCTGCAATAACACTGGATACACC

>trans\_c\_10945NM\_001067746|Oryza sativa Japonica Group Os08g0200400 (Os08g0200400) mRNA, complete cds

AGGGGTACAAGAGAAGGATTACTGAACAAGATGACTGGGTAGTGATGAACTTGTTGTTTACCGAATACTTT  
GCCCTGATGAGGTCATTGGAAGTGTTACCAACGGACTA

>trans\_c\_10946AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete sequence



TTGCACGTACACTACACTAACGTACACAAGCCAATGTAACACAAACGTACATAACAATCACACAGGATAAGAA  
TGTGACTGCATGCATTTCTAGTACCCAAAGGTCCTAT

>trans\_c\_10947AY105819|Zea mays PCO069666 mRNA sequence

AAAGGAGCGTTTTAGCGATAGAATGGTGTGGTGAGAGCTGTTTCATGAAGCAAATTGGATGAATGAGATGG  
AGATCAGCATCTATGACTCATGGTTTGATCCAGTTGTG

>trans\_c\_10948Novel Gene

TCCACACCATTGAGGTATTGATCCAAGTTTACATACATCAGTAGGAAGTGTATTATTATTAGATCATTAGTTTAG  
TTAAGTTGTTAATTTAGTTAGTTACTTCTATTAAG

>trans\_c\_10949AB014076|Brassica napus mRNA for serine decarboxylase, complete cds

GGCGATAAGGAAGCTTACATGGCTAGCGTCTGGCTCGTTATAGAAAGAGTCTCCTTGAGAGGACTAAATATC  
ATTTAGGGTATCCTTATAATTTGGACTTCGAAATGCC

>trans\_c\_10950AY107116|Zea mays PCO063423 mRNA sequence

CATGTAGAGCAGGAAGTTGTTGGTGACGATACTTCAGCATTGCAGTGTGTTTTAAATTCAGATATTGAAAGAA  
CCCAACTTTTGGGAGAGGAAGCTCGTCTCTCGGTTTC

>trans\_c\_10951NM\_114154|Arabidopsis thaliana zinc knuckle (CCHC-type) family protein  
(AT3G42860) mRNA, complete cds

TCAATGCGAAGGTGTAGTTTCAATCGATATCATGAATTAAGAAAAAAGAAACGAAATCGGATAACCACAAGG  
TTTTCATGGAAAAGCTTCAGGGCCTCTCCTTCTGCGTA

>trans\_c\_10952AF262787|Masdevallia nidifica isolate MWC1417 internal transcribed spacer 1, 5.8S  
ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GAGCCTGTGACAGTTGAAGCAGCGAGAGAACCATCCTTGGCGGAATGATGGGCCTTGGCGGAATGATGGGA  
ATTGACGGAGGAAGTTTCACGTTAGCTAGACCCTGTGA

>trans\_c\_10953AF370524|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F15M7.14) mRNA, complete cds

GCTGAGCAGACGGATCTGGCTGATCGAAGCGACAATACAGCTGAGATGATCAAACATGCAATCTACGGTTAC  
TTTTGTCAAAGACGTGGACAAAACACTCGTCCAACCTC

>trans\_c\_10954XM\_002313176|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE912),  
mRNA

AACCCGCCTATGATGCAGTCGCCTGTAAAACCTCCATCGCCTCTACGAGCGCCGCCCGTAAAGCCGCTAAAGC  
AGCCAAAACCAAGAGCTAAAGATCCTATAAAGCTTTC

>trans\_c\_10955AB295617|Nicotiana tabacum NtSCAMP2 mRNA for secretory carrier-associated  
membrane protein 2, complete cds

AGAGGTCAATCCATTCTCGAAAGGTGGTGGTGCTCCTGGATCAAAGTTTCGAATCCCGCAAATGGTATCAGAT  
ACTCTTGGCTTTGGACAGAAGCATGATGCTACAGTGT

>trans\_c\_10956AY375326|Gossypium barbadense fiber protein Fb4 mRNA, partial cds

TCAGATAGATGACTTTGGGGAGGTTGGTGTTTGGGTAACTCTTCAGATTATAAACTGCAAGCCCAGATCCT  
CTTCGAAATTGTGCTGAAAAGAGCTGTTCTGTCTCGCC

>trans\_c\_10957NM\_202028|Arabidopsis thaliana calcium-binding EF hand family protein  
(AT1G03960) mRNA, complete cds

TCCGAGCCGAGTCTTGAGTACTGGTTCAAATGCATTGATCTAGACGGAAATGGAGTGCTCACAAGGAACGAA  
ATGCAGTATTTTTTTGAAGAGCAGTTGCACCGAACAAG

>trans\_c\_10958Novel Gene

GGGAAGTAAGATATAAGGGGGGAAGAGTGAGGGACTGACATCCGAGTGAAGACATTTTATTTAATTTGTTGT  
TGAATTTGGTATATCATCTATATTATTGTGTTTGGGGA

>trans\_c\_10959XM\_002880636|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ein3-binding F box protein 1 (EBF1),  
mRNA

CCACTCGTTGGAGATCAGGGAATTGCTAGTTTGTGTCTTTGAACACTTGTGCCTTGAATAAGGTAAAGCTTCA  
GGCGCTGAATGTTTCCGCGTGTGAAAGGGCACAATA

>trans\_c\_10960XM\_002315974|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP749A9), mRNA

TTTCCATAACATTCTCCCCAGAGTTATGCCTTCGGTTCCTTGGCTCAACCTTTACGGGAGGAACTATCTTC  
AGTGGGCTGGAGTTGATGCTCAGTTGATGATTACA

>trans\_c\_10961NM\_124714|Arabidopsis thaliana CLPX; ATP binding / ATPase/ nucleoside-  
triphosphatase/ nucleotide binding / protein binding (CLPX) mRNA, complete cds

GAACTTGAGAAAAGTAACATCCTTCTGATGGGGCCAACAGGCTCAGGGAAAACACTACTCGCCAAAACCTTG  
GCACGGTTTGTTAATGTTCCGCCGGGGCTAATATACCC

>trans\_c\_10962AY056434|Arabidopsis thaliana AT5g24690/MXC17\_8 mRNA, complete cds

CGCTCATTAATGTTCTCACTGTTACCGCTTGCAATGCTATAGTTGTTTGGTCACTTGCTCCTTGTCGTTCATATG  
GAAATACATTCCGATTTGATTTGCAAAATACATTA

>trans\_c\_10963EU877368|Cicer arietinum microsatellite NCPGR201 sequence

TGCGACGCCACCCCTTGTTCGAAATGGGGTGCATCAAACGATTTTGCAACACTAACCATCACTGGAGTAAA  
GAAAACCCAGAAGATATCGTATTAAATGCATCCCTTC

>trans\_c\_10964U35619|Nicotiana tabacum ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large  
subunit N-methyltransferase (rbcMT-T) gene, complete cds

GTTACTTCTCTCGCCTCTCCAGATTTAGATCCATCGTTGCCTTCAAACGTTACACCTTCTGGCAATGGCTTCGC  
CAGGAAGGCGTGGTCTGGAGATTCTGTATGCACCC

>trans\_c\_10965NM\_128560|Arabidopsis thaliana transducin family protein / WD-40 repeat family  
protein (AT2G30050) mRNA, complete cds

ATTACTATGGCAAACGCATAGCGACAGCTTCCTCTGATTTTACCATTAAAATTGTTAGCGTTAGCAAAAACCTCT  
GGTTCGCAAATCTTAGCTACCTTGAATGGTCACGGG

>trans\_c\_10966AF175576|Picea abies transcription factor viviparous 1 (vp1) mRNA, complete cds

AATGCTTTGCAAATGAAGATCCTCCTCCTGTTTCGATCAAAGCCCTGTAGGAGCCACCAATCTTTAGCCCCTTC  
AATGAACAACACCCAACTACTTGTCTAACGATTT

>trans\_c\_10967NM\_121209|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-  
containing protein / clathrin assembly protein-related (AT5G11710) mRNA, complete cds

CTCTCTCAGACCTCCCTCGCTCAGTCCGCCACGACACCGACATCTACCAGGGAAACCTTCTTGGGAGCAGATA  
TATTAAGATCAATCAACCCTCGACTAAGTGAATCCG

>trans\_c\_10968NM\_001072062|Oryza sativa Japonica Group Os11g0104900 (Os11g0104900)  
mRNA, partial cds

AAGCAAGATATGTGGTTGAGAGGATGGATGGTGATCTTTGGGAGAAGGTTCTTAACCCTGAAAATGAATATA  
GAAGGCAGCTCATCGACCATCAACACAGTGTGATTCAC

>trans\_c\_10969NM\_103114|Arabidopsis thaliana ATP2-A4 (Phloem protein 2-A4); carbohydrate  
binding (ATPP2-A4) mRNA, complete cds

AGTTCCTGATTTCCACCTCACCTTATCTTCTTCTCAAATTTCTCGTCTTTAGCTCTTTCCTTCTCAACAATGG  
CGGAGGACAACCCGAGGTCCACTCAGTAGGAGA

>trans\_c\_10970Novel Gene

TGATAACCCGGGGTCCCCGTGGTCTTAGATACACTTATTTATTGTACTTCAAAAAGAGGAACCAGACTGTAG  
TTCATAAAAAAGTTCGTTTTTAGAACCTTTCCCCTCT

>trans\_c\_10971NM\_001056126|Oryza sativa Japonica Group Os03g0255100 (Os03g0255100)  
mRNA, complete cds

ACGTGGATAGTCAATCTGATAAGACGGTGACTTTCAATGGTAATTCATATCATTTGCCAGCATGGTCCGTGAG  
CATCTTGCCAGACTGCACTCCGTGTTGTAGTGTATGA

>trans\_c\_10972NM\_001064059|Oryza sativa Japonica Group Os06g0325500 (Os06g0325500)  
mRNA, complete cds

TCACTTATTCCTGAGCTCAGACGGATCGAGGGAGACGTTAGAAAAGATGAGAGATGAGAGAAATGGATGAG  
AGATTAATTTTTGTTTTGGTCCGTCCCCGGCCGGCACG

>trans\_c\_10973U52078|Nicotiana tabacum kinesin-like protein (tck1) mRNA, complete cds

TGGGGAGTTGTCTATCAGCCACCGTTGTTGTCATATCATATGTAATTTCTTCAAAAGTTTCATCCAAAAAGAAG  
ACAATAGTTGTAAGTTTTCGGCCTGTCAAAGAGCT

>trans\_c\_10974XM\_002884559|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AGCTTCGAGTGAAGAGCAGATAAAGCCCTTAGGTTGCATCTTCTCATAATGCTCCATACACCAATTTGCCTCCA  
TTAACATTGAATAGCTTTCTGCTGTGCTACCTCATG

>trans\_c\_10975NM\_202477|Arabidopsis thaliana DRH1 (DEAD BOX RNA HELICASE 1); ATP-  
dependent RNA helicase/ ATPase (DRH1) mRNA, complete cds

GAAAACTCTTGGGTACTTAATACCAGGTTTTATTCATCTCAAGCGCATTCGAAACGATCCTAAGCTAGGTCCGA  
CTGTTTTGGTGTGTGTCACCCACAAGGGAAAACCGTG

>trans\_c\_10976NM\_001051980|Oryza sativa Japonica Group Os01g0957100 (Os01g0957100)  
mRNA, partial cds

GCGAAACTTTACTTTCATAGCTGGCTATGCTAGCGCGAAAGAGATGGGAGTGTAAGTGGGGGGCAAGTTGGT  
CGAAGTAACTGCTGACGCGTAGGTGAGACCCCTCGGCCT

>trans\_c\_10977Novel Gene

CCTCTAACTCTTGCATCGGCAACATCGAATTCAAGGGATGACCTCTATTGACTTATTTGACCTATCAACCGCTAC  
GTGGGCAACCGGACCGGAAAGCGCTAAGAGAAAAAT

>trans\_c\_10978XM\_002321113|Populus trichocarpa glycosyl hydrolase family 9, mRNA

CCTTCGGGCGCTCAGCTTAAAAGTTACAGAAGAATGGTCCATAAAGAAACACAAAGAATTGGAGGTATATCG  
CCCTTTCAACAAATTTCCACGAAACAAATGCAATAGCC

>trans\_c\_10979Novel Gene

GGAATATGCATTCTGGGATCTGCTTATTGCGTTCTACATTTTGGGTTGTGATTTGATTAACCTCTTAGATGGGC  
ATTTTGACATAGGATTACTGTTAGCCGAGATGGAAA

>trans\_c\_10980NM\_001069635|Oryza sativa Japonica Group Os09g0396300 (Os09g0396300)  
mRNA, complete cds

CATTCCCTCCGCCAAGCAGAAGAGAACGGCATCAAATCACTATTTGTTTCATGTTCTCTCTTCTTAACTATAGAT  
GAAGAGACCCAGATTATGCCCCGCCATAAGGACACC

>trans\_c\_10981NM\_179531|Arabidopsis thaliana agenet domain-containing protein / bromo-  
adjacent homology (BAH) domain-containing protein (AT1G68580) mRNA, complete cds

CTTGTTGCATACTTGGAGGATATGTATGAGGACTCTAGAAGCAACAGGATGGTTGTGGTACGATGGTTTCACA  
AAATTGATGAGGTTGATATTGTATTCCGTGAAACCCT

>trans\_c\_10982CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

TGAGGACCTCTCTAGATGTGGAGGGAACGACTCTTCGAGTGAGCAGAGAGCAAGTGGGTCATCAAACCGAGT  
CCACGGCTCTCATAGGACGGAGACGAGGACCTCGGTGC

>trans\_c\_10983AY104354|Zea mays PCO108571 mRNA sequence

TGATACCTGTCCAACCTGCCATCCATGATTTTGAAGGTGATCAAACCTACTCTGAGAAGCCAGGCCATAATTTTA  
CGCTGACCGCTGATTTTGAAGGCTTGGATGCATCAA

>trans\_c\_10984AY298951|Chlamydomonas reinhardtii long flagella (LF1) gene, complete cds

ACCGCAAGCGTCTCAGGACGATCCTGGTGGAATAATGCTTCGAAATCAGATCACAAATGCACAGGGGCTTCC  
AGTAATACACTTGAAGAAGCTGTCCCTTGGGGACCCCT

>trans\_c\_10985NM\_001161003|Arabidopsis thaliana TSD2 (TUMOROUS SHOOT DEVELOPMENT 2);  
methyltransferase (TSD2) mRNA, complete cds

AGTATGATAGACATTGTGAACCTAACTCGTCGCTAACTGTTTGATACAATCTCCCTTGAAATACAAGATTCCA  
CTTAGATGGCCTACTGGAAGGGATGTTATCTGGTCG

>trans\_c\_10986EU002548|Tapiscia sinensis RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial cds;  
chloroplast

CGGGGGCATTTCGTTTTTCATTCCCGAGGAAGTGCATATTTTACCAGAATCTTCTTCCATAATGGTACGGAACAA  
TAGTATCATTGGAGTAGCTACACGACTAACTTTAAG

>trans\_c\_10987EU024570|Chenopodium quinoa salt overly sensitive 1 (SOS1) gene, complete cds

GGCACAAAATCAGCCCCCCCCATTTCCCAAAAAAAGAAACTCCGCGGTCCCGAACATCACAAGAAATCCAG  
CAAGAAAAGCTACTTAAGAAAGAGCTGAAACTGGGGA

>trans\_c\_10988NM\_001060637|Oryza sativa Japonica Group Os04g0652900 (Os04g0652900)  
mRNA, complete cds

AGAAGGGTTGTGAGGGGCCTAGGTGCAAACCCCCCGACTTGGACACGCTCCACCCCCGTCGTAGGCCGCCC  
CTTCCAACCGGTGGTGACCACGACCCCCTTGGCGCCCA

>trans\_c\_10989AF367091|Pinus taeda microsatellite RPTest9 sequence, allele 2

TCCACCAGTAGGGACTAAGCCTTTGACTGCTGGTTCACTCTCCTTGACTTCTCCAGGGGATTGGACTTTGAAT  
CTGGTTCACTTTCTGCTTTTGTAGATGTTGCAGCC

>trans\_c\_10990AB294714|Hevea brasiliensis HbGGPS mRNA for geranylgeranyl-diphosphate  
synthase, complete cds, note: HbEST\_No.08697

CGGAGGAGCTGAGGACCAAAGCTAAGAATGAATTGGAAGGATTTGAAAAGTACGGAGACCGAGTGATGCCT  
TTGTACAGCTTTGTGGACATACACATCACGCTTCTAGGT

>trans\_c\_10991XM\_002879225|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata BTB/POZ domain-containing  
protein, mRNA

GATACCCTTTTCAGAATATGGTCTTCCAATGGCTTGATACAAATCCAACTGCAGCGTTCAATATATTGGGCTT  
AGTAGCTGGGATAAACGCACAAAGCGCGAGGGCACC

>trans\_c\_10992Novel Gene

TGCCTGAGGAAGAATCTGATTTTAGTGGTGATGAGTTTGATGATGATGAGTTTGATGATGATTTTGATGATGA  
TGATTATGACGATGAAGAAGAGAATACCCAGGGGCGC

>trans\_c\_10993XM\_002887113|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata atmap70-1, mRNA

TCAAAAGGAGGTTATAGCTTTGAGAAAAGCTGGTCATGAGAAAGATCAAAGCCTTAAAGATAAGGATGACGC  
GATTGAGATGTTAGCAAAGAAGGTAGAGACGCTGTGGT

>trans\_c\_10994Novel Gene

CTACAAGAAGATATTTGTGAATCATTTGGGGATCCACCGAGTATTTGAGTTGGCAACAGTCGCAAGTTGAGCC  
CTCATATCGTGGAAGGTGTGACTTTAGCAGATTGTAT

>trans\_c\_10995GU075602|Mapania macrophylla voucher US:K.M.Redden 4065 photosystem II  
protein N-like (psbN) and photosystem II protein T-like (psbT) genes, complete sequence; and  
photosystem II CP47 protein-like (psbB) gene, partial sequence; chloroplast

AGACCTGAGGCCGCTAGGTGACCAATGTTGCTATTTCCATTCTTTCGTTTCTTTATTTGACAACAAACACCTTCG  
ACTTTGAATTGTATTAACATCTTCTCTTTATTTCG

>trans\_c\_10996FJ232947|Nigella sativa squalene epoxidase 1 (sqe1) mRNA, complete cds

CATATACTCTCGCCAAGGATGGTCGTCAAGTACATGTGATTGAAAGAGACTTGTGAGAGCCGGACAGAATTGT  
TGGTGAATTATTACAACCGGGAGATCGCTCCGGTGGC

>trans\_c\_10997NM\_001057480|Oryza sativa Japonica Group Os03g0689100 (Os03g0689100)  
mRNA, complete cds

GCTCTGACGAGGGTCGGGTTGAGATGTCTGCAGCTGCATTTGCCAAAGGTCTCCTCGACCTGGAAGGTCAATT  
AACACCAATTCTGGTTTCCCTTGTTAGTAAGGATTCC

>trans\_c\_10998XM\_002869666|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata clathrin adaptor complexes  
medium subunit family protein, mRNA

CCAAAATTTCTCCTGAGGGAATCTTCATTGAGAACCCCAAGGTAATCTTTGATGACACGTGCAATTCTTTGAAG  
AAGTTCAAGAACAAGAGAAGGTGATGCATTAATTCT

>trans\_c\_10999L07843|Vigna radiata NADPH cytochrome P450 mRNA, complete cds

CCTGCACACTACACGGTCAGCATGGCAGCTGTGTAGGGTGTGGTCACAGTTGCTGCATCATCCTCATCCCG  
AAGTAATTGATCCAACCTCAGGCCACAGTGATTCTCGC

>trans\_c\_11000FJ185679|Corylus avellana isolate cav.BRI.53 kinase-like protein gene, partial cds

TGCCATGGACACTCATTTGAGTGTAAGCACATTAGCTGGAACACCCGGTTACGTCCCTCCCGAATATTACAAA  
GCTTCCGGTGTTACACCCCTTATCATGGGCGTGAC

>trans\_c\_11001XM\_002872788|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AAA-type ATPase family protein,  
mRNA

ACATTTGTTGTATAGTGGTCCTCCTATAACATCGGCAAGAAGTTTCTTTTCGAACTCATTCTCCGTGACCACATC  
CCTGAGTGACTTCTTCAAGCTCTTGTTCTCACTCT

>trans\_c\_11002FJ402896|Glycine tomentella LINE gtd1-12e3-re-9 sequence

AGTGACGTCCTACTCTCACGGGGATCTACCCGACTACCATCGGCGCTGAAGAGCTTAACTGCTGTGTTCCGGCA  
TGGGAACAGGTGTGACCTTCTTGCCATCGCCACCACA

>trans\_c\_11003NM\_121303|Arabidopsis thaliana ATGSL12 (glucan synthase-like 12); 1,3-beta-glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATGSL12) mRNA, complete cds

AAGCAATGTTTGGGTTTCAGGAAGGCAATGTGGCAAATCAAAGGGAACACCTTATTCTATTACTTGCAAATGT  
ACACATTCGGCAATTTCCAAAGTCTGATCAACAGCCC

>trans\_c\_11004XM\_003081643|Ostreococcus tauri Cystathionine gamma-synthase (ISS)  
(Ot10g02580) mRNA, complete cds

CCGTCGGGGGAGAAGGGGAGTGAGAGGAAAGGGCGAGGCACCCTAAGTGGAACCTCAGTAGTTTCGGAAAG  
ACTGAGCCGGACCAGATTGATAAAGCATGCGTACGCACCG

>trans\_c\_11005AY080590|Arabidopsis thaliana At1g61100 mRNA sequence

AGAGGTTCTTGAGAGATTTGTTACTACAGAGAAGGAGATTGTACAGATCGAGAATTCTATATCCACAGATGCA  
GACGGAAACACGACAATCAAGTCGGTTCCTCTCGGGG

>trans\_c\_11006AY107449|Zea mays PCO136884 mRNA sequence

TCTCCAGTTTCCATCCCGCAATTCTCCACTACCACAGCAGCGGAAGTTACGATACTGCAGCCTCTCAGCACAG  
GCTCTTTGTAGCTTGCAGGGGCAACCAAGCGGTTCC

>trans\_c\_11007DQ395330|Cucumis sativus alkaline alpha galactosidase (AGA2) mRNA, complete  
cds

AGTGCCAAACAGACTGCGGTCGTGAGAGCTTCTGATGACTATTACCCTCGTGATCCTGCCTCCCACACCATTCA  
TATTTCTTCTGTGGCTTACAATTCTTTTCCTTGG

>trans\_c\_11008Novel Gene

GACATTTAGTCCATGTCGCCATTCCTGCAAGATCCCCTCTTAGACAAGCTACCTTATTAAAGAATCTACATAAC  
GGTGTAGGGGTTCTAATCCTGGTGAAAAATGTCCA

>trans\_c\_11009AY628139|Gossypium hirsutum cultivar Siokra L23 trehalose 6-phosphate synthase  
mRNA, complete cds

ACAGGGAGTAAGCAAAGGGTTGGTCGCAGAAAAGGTTCTCTCAAGAATGGTGGATAGTGGAAGACCACCTG  
ATTCGTGATGTGCATTGGAGATGATAGATCAGATGAAG

>trans\_c\_11010tpg|BK006567.1|TPA\_inf: Zea mays ARO1-like protein 3 gene, complete cds

TTTAGACCTCCGGCTTACGGCGATGACTATATAGGATCGGACGTCTGTGAAGGACCCAACCATCACGGAGAG  
CGTTACTTCTCATCATCGCAAGAGGAGGCACCCCTTCT

>trans\_c\_11011EU342420|Glycine max extracellular Ca<sup>2+</sup> sensing receptor (cas) mRNA, complete  
cds

AGCTTTTCCTTTAAACCTTAAGAATCAAGTTATCGTCTTCCATGAGATCCATTTTATTGCTTGATCTGCTCCAAG  
AACCATAAGAATCCATATCTCTCATCACTAGATCC

>trans\_c\_11012NM\_001059664|Oryza sativa Japonica Group Os04g0485000 (Os04g0485000)  
mRNA, complete cds

AAAGCAGCCAACTTGTTTTGGATTCCATCTCAACATTCACAACATACGAACTTTTTCCTTATGACACATTTCATA  
TTTTATACTGTTCTCACAAGCATTATATCATTGGA

>trans\_c\_11013NM\_001112424|Zea mays Binding protein homolog2 (bip2),  
mRNA gb|U58209.1|ZMU58209 Zea mays lumenal binding protein cBiPe3 mRNA, complete cds

ACCTGCATCTTCCATGGCTTTCTTCACTGGTCCCATGGTCTTTCTGAACAAGTCATTGTTCAACTCCTCGAAACG  
AGCTCTGGTCAATGGCTCAGAGAAGTCAGTACCAT

>trans\_c\_11014XM\_002315327|Populus trichocarpa precursor of transferase serine  
hydroxymethyltransferase 7 (SHMT7), mRNA

AGTGAAGGTTATCCTGGGGCTAGATACTATGGAGGGAACGAGTACATTGACATGGCCGAATCCTTGTGCCAG  
AAGCGTGCTCTTGAAGCATTTAGATTGGATCCAGCCGG

>trans\_c\_11015AB511821|Glycine max GmTFL1a gene for terminal flower 1a, complete cds

TAGACCATTTGTTTGAAATGCCCTGTTCGCAGGAGCATACTGTCGTTCCGGTAGGAGTGTCTCCTCACGTTCTG  
CCAGAGAACACCGCACCCCGGTTTGCGGTAACCACT

>trans\_c\_11016Novel Gene

ATATACAGGTGAGGACTATCTATCAGACGATAGGTTTCCTCGAGCAGAATTCGTTGTAACAATACGAGCAAAGC  
ATCCTATATATCATATCTGAGCTTTACAGATCAACCA

>trans\_c\_11017NM\_001036949|Arabidopsis thaliana CKB1; protein kinase regulator (CKB1) mRNA,  
complete cds

TGAAAACCTTCAGAGGAAACCAAGCCAGTTGCTCATGTTCCAGATAATGAAAGTATAGGGAAGAGTGAGTTT  
GGTCTGCCTGCAAAAGCCGAGTCTGTTTATCTGACCGA

>trans\_c\_11018AY605496|Nothofagus obliqua ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase  
large subunit (rbcl) and acetyl-CoA carboxylase beta subunit (accD) genes, complete cds; chloroplast

GATCCTTGAGAAGTCAGATTTAAGTGAAGTAGAAAGTTCTTTTATAGTTTTCGGAACTCTACTTATCAAATA  
ATGTATCTAAGAGTGATGATTCCCACTATGATCAGT

>trans\_c\_11019BT005894|Arabidopsis thaliana At2g26470 gene, complete cds

GTCCCCAAAAAAGCTCATGACATCGACGGGAGAAGCTGCAGAAGTGAAAGTTCCGGCGGAGGATGTTGC  
TCCTGTGGAGGTTGTTCCAATCGTAAGACTCGGTCCCCC

>trans\_c\_11020EU606022|Manihot esculenta homogentisate phytyltransferase (VTE2) mRNA,  
complete cds



GGCATCCGTTCTTTACAGTACGTCTAGGGCAAGAGCGGGTGTGTTTGGAGTTGTATTCCTTGCTTGAAGTAG  
CATATACTGCTGCTGTGGGCTGTTTCACCATGCTCCT

>trans\_c\_11021X98865|Lycopersicon esculentum mRNA for 14-3-3 protein (tft9 gene)

ATGTTCTCCGCTGGAGAATCTACTGTGTTCTACCATAAGATGAAAGGAGACTACTGTCGGTATTTGGCTGAG  
TTTAATAGACCACTAGAGCGCGGCACCTGGTATGAGA

>trans\_c\_11022NM\_101164|Arabidopsis thaliana importin-related (AT1G12930) mRNA, complete  
cds

TGAGGAACGGAAAATCAGAGAGTGAAGAAGGTATTTCTGTCGAGCGGAAGATGGCGATAGCTTCGATTTA  
GGATGGTTGCCTGCTTTTCCTCATGTCTCCACCATCCTT

>trans\_c\_11023EU728679|Zea mays RFLP marker p-umc18 full length insert sequence of entire PstI  
fragment genomic sequence

AGGAATTGAATGACAAGAAAAGATTGGCAACAAGTGGGGCAAACCTTGCAAGGGCATAACCGTTGATAAAC  
CTTGACGTTCAAGGGTCTCTTGAAGTGTCACCGGGG

>trans\_c\_11024NM\_001068144|Oryza sativa Japonica Group Os08g0347500 (Os08g0347500)  
mRNA, complete cds

GTGGGGAGATAAAGAAATAGATCGAACCGATCGGCTGTGTGTACCCCTTTCCAATCCAAGGAAGATGAAAA  
ATTACATATATTAGACATATGGGCTCGGGCCCGCGGGG

>trans\_c\_11025Novel Gene

GACCCAAACACTCGCTTCGCCGTTTTTTGGGTGTTGGATTACATTGAAAGGGGTGGTGGGATTATTATCCAT  
ATCGGAGAAGAGATTGAAGATAGGTAAGAATTCTCT

>trans\_c\_11026Novel Gene

ATTTGAGAAAGAAGACAAGACTCAAATTCAGAATCAGAAAGTTCAGTCAGAAGAACCTACTATTGGATAAG  
AGAAGACGCATAATATCTATCTTGCTCACGTTGCTGG

>trans\_c\_11027AF168779|Eucalyptus globulus caffeoyl-CoA O-methyltransferase (CCoAOMT2)  
gene, partial cds

AGGGGGGGGTGAGAGAAATTGCTGAAAAAGGAGATGGGAGGGAAAGATGTAGGATGTTACACAAACCCAA  
ATGATGAAGATCTGAAAATACCCTTTTCTTCCATTCAAG

>trans\_c\_11028XM\_002878927|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata PDE135, mRNA

TGCATCCACTCTAATCCTTCTTGGCCTGAAGCTGTTTTACTGGCTTTTCAGCACTATATTGTTGTGCTTGGGACT  
ATAGTTCTTATTGCTACTACCCTTGTGCCTAGAAT

>trans\_c\_11029AY155487|Zea mays subsp. mexicana isolate E2 opaque 2 gene, partial cds

AATTGTTACTTCATCAATCTTACTCCTTGCTTCAATCTCATTATCAACCTCCCTCATCTCCGATCCAAAACTCTTA  
CCGCCTACGATATTCTCCCACTATGCCCCCTT

>trans\_c\_11030Novel Gene

GGAGATTCACGAAGAAGTCTTGCGCTATTTACCTGTGAGTGGTATTATTGGACTGATCTTTTGGTGGGAAATC  
TTCTTCATTTTGGATAATGAAATATAAAACGGACTAC

>trans\_c\_11031AF308707|Cicer arietinum ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large  
subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

ACTATCAAATTACCATCTGGGGTTTTAACGCCAAACTTAATGTTAGCCATTTTCGGAGAAGTTGTGTAAATTC  
TGATGCCCCTATCGTCAACAGCTCGATCAGTATAGA

>trans\_c\_11032AB071820|Cucumis melo CmE8 gene, complete cds

GGAAGGTCCAAGAGTATCAGTGGCTGGGTTTTCTCCAAGTTCCGTTATCGACGTCCAAATTAGCACCCATTG  
AAGAGTTGATTCGGAAGTGGTTAACTCTATTGCG

>trans\_c\_11033XM\_002893231|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata alanine-2-oxoglutarate  
aminotransferase 1 (GGT1), mRNA

AAATTGCAGATCACATTTCTGCAGCTATTGAATCCATCAGTCATTATTCTTGCTCTTCTCCTCAGCTCTCAAGG  
ATCCCCTTGCTTTCCAGAAGTCGGGGTTTGTGCA

>trans\_c\_11034NM\_001065946|Oryza sativa Japonica Group Os07g0296200 (Os07g0296200)  
mRNA, complete cds

ATATTTTGATAGCGTGTCTTTGCCCTGTTCCGGACGAAGGGTGGGGGAAGGGAACGGACAGATTGAGAG  
GAATGGGACGATCGGGGTGAATGATCCTCCTTTCTTC

>trans\_c\_11035AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA  
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

CTGTTTTACATTAACATCTAATTGAATTCATTCATTTTGGGCCTGACGAACACAAACATGGAGGGGTATAGAT  
AAGAAAATTGTGTGTAAGACAAGCTCTTGGGAAATC

>trans\_c\_11036NM\_001057163|Oryza sativa Japonica Group Os03g0603600 (Os03g0603600)  
mRNA, complete cds

CTTCTCATCTGGGGATGATCGTTTTGACTCATCTGCTTCACTGCCCCATCGTTAGGTTCTTCTGCTTGCAGTGCA  
GAAACAGTTGGATGTTTCTTCATAGATTGCTCAGT

>trans\_c\_11037Novel Gene

GTTATTCTATTCCACCTCTTTCTTTCTTTCTTGAATTTAGTTTTATGAATTATCGTACCGCTATGTAAATATGTTT  
TGAAGATGGGGCTCGTGTGCGTTACCATAATGC

>trans\_c\_11038XM\_002876142|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-protein ligase 7 (UPL7),  
mRNA

AAGGCTCTTTATGAAGGAATATTGCTTGACTATTCATTTTCACACGTTTTGTCCATAAGCTATTAGGGCGGTAT  
AGCTTCCCCAGCAGATCGCTGGTATCCATAGGGTC

>trans\_c\_11039Novel Gene

AATCAACTTTCCGGCTTCATATGAGAATGGAAAAGTGGAGCATTTTCTGCATCAGTGGATGATAGGCTTTCTTC  
GCTTTCATCAGATTTTATGTGGTCCCATGGGGACCT

>trans\_c\_11040Novel Gene

GATCTTATTCGTAAAGACTAGCTTTTCCAAAGTCAGAGTGTAGAACTTGTAGTCTTTCGGCAGGGAGAAGGAT  
ACCAGCTCGATGAAGGCAGGGAGGAAGCCTCATCAG

>trans\_c\_11041AF188678|Pisum sativum P72 DEAD box protein mRNA, complete cds

CAGGGTTCTCTGCTCCAAGTCCAATTCAGGCGCAGTCATGGCCAATTGCTCTTCAAAGTAGAGATATTGTAGCT  
ATTGCTAAACAGGCTCAGGGAAAAGTCTTGGGTA

>trans\_c\_11042CP001334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 16, complete sequence

GATACGAGACTGGGGGGGCGAGTGATGGGGTGATGGCGCGAAAAGTCCCATCCCCATCCACAAATCATCTTC  
ACTTCTCAGCTGCCAAACAGTAATGAATTCCCCACC

>trans\_c\_11043NM\_128659|Arabidopsis thaliana ATP synthase protein I -related (AT2G31040)  
mRNA, complete cds

GCCGGCGACTCATAGGGATTGGCCACCGAAAGTCACCCAGATGGAAGTTAGCACCGACAAGGCATGAGCAA  
GAGAAGTGGGATAGGGCATATAAGGCAGCTACTGGAGG

>trans\_c\_11044NM\_124692|Arabidopsis thaliana CNGC1 (CYCLIC NUCLEOTIDE GATED CHANNEL 1);  
calmodulin binding / cation channel/ cyclic nucleotide binding / intracellular cycl> (CNGC1) mRNA,  
complete cds

TAGAGAAAGAGATTAAATGCAGCTCCAGCCCATGCAGTTTCAGTGAGCACAGATGTTCTTGTAAGTCTTTATA  
TAAAGGATAGATTCTAATAAACCGTGGCACATACT

>trans\_c\_11045NM\_121562|Arabidopsis thaliana LNG1 (LONGIFOLIA1) (LNG1) mRNA, complete cds

AGAGGGAGATAGCAGGAGGTGGAAGGGAGAGATGTCTGCAAGGATTACCTATTCTTTATCAGATGAGAATC  
AAAGCCTTCATAAGCAAATTGGTTGTATGATGAACGCA

>trans\_c\_11046Novel Gene

GGAAAAGGTGTTCAATTCTCTGTCCAAAAAGAGTGTTTCAGACTTCTCATGACGTTTAATATCAGCATTCTGAC  
CCTCTCTTCTACTCCTTGATGGATCAGAAATCTCT

>trans\_c\_11047Novel Gene

GAATCTGATGCCGATGACGATGAAGGGAAGCCTGATATCTATGATGAAGAAGAAAACGCTGATGCTGACGAT  
GATGACAAAGAGAAGCCTGAAGTTGACGATGAAGAAG

>trans\_c\_11048Novel Gene

AGGGGAAGTTTGTTCTTGAGAGATGGAGAATAGTTGAGGAGATGATGGAAGACTTAAACGGAGATGCTCAT  
CCTGGTTCAAGCGATATGGAAAATCCTTAGTGAGAAAG

>trans\_c\_11049NM\_101138|Arabidopsis thaliana PEPKR2 (Phosphoenolpyruvate carboxylase-related kinase 2); ATP binding / kinase/ protein kinase/ protein serine/threonine kina> (PEPKR2) mRNA, complete cds

ATGAGGAAGAAAAGGAAAGGAAGTGAGACTGATGGACCGTCAAATTTACAAGACAATGTGACAGAATCTCATGACTCGCGATCTTCTAAACTGAAGGCCCAATACTCGC

>trans\_c\_11050AF229812|Cucumis sativus fatty acid hydroperoxide lyase pseudogene, mRNA sequence

GGGACCCCGAGCGAGAAGAACAAGCAGTGCCTGGGAAGGATTTGGTGGTGCTGACGGCGGTGGTGTGTTGTGGCTTACATATTTAAAAGGTATGATTGATTGCTGGGG

>trans\_c\_11051AY884151|Ginkgo biloba trehalose-6-phosphate synthase gene, complete cds

GAGCAAAACGAAGGGAGGATGATAATTCATGGAGTTTCAGTTGGAATGAAGATTCGTTGCTTTTGCAGCTATTCTACCGAATGGTCTTCTATACTCTCGAGAGAGAGG

>trans\_c\_11052AY279308|Malus x domestica oxoglutarate/malate translocator-like mRNA, partial sequence

AAGCTTTTTTATATATTTGTGGAAGATGGACCAACCATATATATCGGAGTTCAGAGAAGATGACTTTTGCCTACTCCCACACTGAATAATACATTAGGTAACCCGAC

>trans\_c\_11053NM\_001068594|Oryza sativa Japonica Group Os08g0480500 (Os08g0480500) mRNA, partial cds

TCTACTGTCGGGTCCTGCGAGAAGATCCAGATCGTGGAGCTGTCTTGTTCAGACTACTCGTCGAGTTCAGCAGTCTCACTTTGGCACTCGGATTCTTCTCCGTCTCG

>trans\_c\_11054NM\_201946|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-containing protein (AT2G43160) mRNA, complete cds

GCAGAAGGTTTTGGATGCCACTAGCAATGAGCCTTGGGGTCTCATGGATCCCTTCTTGCAGATATAGCACAGGCAACTAGAAATTATCATGAATATCAAATGATCATG

>trans\_c\_11055NM\_001189582|Oryza sativa Japonica Group Os11g0431700 (Os11g0431700) mRNA, partial cds

TAGAGCCATACAATGGAAGCCTACCTCAGATAATCTTAAATCCTCATACATGGACTAAGAACACAAGTATACTATTCTAGATTCGGTTGTGTACTCTGGATTTTCGTA

>trans\_c\_11056FJ146834|Pinus taeda isolate 7285 anonymous locus CL960Contig2\_03 genomic sequence

CTTATAATTACCGAAAACAAAAGAAAAGATCTTCGTTACCTAATAGGAATCGAATACACGACCTAAGGGTTAAGTTAAATTATAAGTCAACCCTCCACGCCATGGAGCT

>trans\_c\_11057XM\_002320913|Populus trichocarpa s-adenosylmethionine synthetase 4 (AdoMet4), mRNA

CTCACTGAAGTTAGAAAGAATGGCACCTGCCCCTGGTTGAGACCTGATGGCAAGACCCAAGTCACTGTTGAAT  
ACTACAACGACACGTTGCGGTGTACGTGGTGTACA

>trans\_c\_11058AY105800|Zea mays PCO100001 mRNA sequence

CAGAGATAAAGAGAACTGCCAAAACAGGAAATGAGGCCGCAACAAAGATTCTTGCTCGGCAGTTAGTTAGGC  
TCAGACAACAAATAGCAAACCTACAAGGAAGTCGAGC

>trans\_c\_11059CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

TTGGCAGCTTGGAATTCTCATTATTATCCTTGATCACATAGCTCAAAGAACCATCGTAATAGATAATCTTTACTTA  
TTTCTAACATCTGAGTCCATACCACTGAAGTATT

>trans\_c\_11060XM\_002873207|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NC domain-containing protein,  
mRNA

GGCACAGTACACCCCAACGGCAGTTGCTGCCATTCCATAGACGTTGGTTGTCACAAGACGCAGTGGTGTGAA  
AGAACCGCTGCCAGAGGTCCTCAATGATTGAAACT

>trans\_c\_11061AY803008|Helianthus annuus cultivar RHA377 delta-12 oleate desaturase (FAD2-3)  
gene, complete cds

TGTGTGGGACATGAGTTGTGTGAGTGTCCGTAATGTTGTGGAAGACCTTGTTCAAGATGCCGTAGTCTCTGTC  
TACTGTTGCCAATGCGCCTCTTAGCCAGTCCCATT

>trans\_c\_11062AB293427|Cucumis melo var. cantalupensis ETR2 gene for ethylene receptor,  
complete cds

AGTTGATGCTAGCTCTCACCGTCTTCAAAATCTTACCGCCCTGGTTTCCTGTGCTACTGCTATAACCCTCATCA  
CACTTATTCCTTTACTTCTCAAGGTGAAAGTGAG

>trans\_c\_11063XM\_002309232|Populus trichocarpa white-brown-complex ABC transporter family,  
mRNA

GAAGGAAAAGAGGAAAATGCTGACACCTCTGACGCTAGACGAAGAGCTGAAATCGAAGGTATCGAGTTCGA  
GAAGGCAATGGGGAGCGAGTTGGTGGGAACCCGCGGAT

>trans\_c\_11064AY103979|Zea mays PCO072809 mRNA sequence

ATAATGAGCAAAAGATCATCCTCCTCGAAGTTGTTGTTTTATGATCTCCATGGTTCTGGTGCTAAAATCCAAGT  
TATGACGGATGCACGATAAACTGTGGTTGGATGA

>trans\_c\_11065NM\_001051090|Oryza sativa Japonica Group Os01g0804900 (Os01g0804900)  
mRNA, complete cds

CAGAGCCCTATGCAGTTAACAATGCTAACAGACTAAATGGCCGATCAGAACCTAAATCCAGCAGTCATCTACA  
AAATGAGAACAATACCAAGACTGGTCCCCACAAGCA

>trans\_c\_11066DQ778073|Catharanthus roseus cytochrome P450 72A1-like gene, partial sequence

AAAGAGGCTTGAGAAGTTGTTGAGACAGCAAGGCCTCGCCGGCAACTCTTATCGGTTTCTGTTTGGTGATACA  
AAGGAGATTGGGGTGGCTGTCCGGCAAGCAAGATGC

>trans\_c\_11067DQ498085|Claytonia perfoliata internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S  
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

TAGACCCCCTAAAAACAATTTGGGCGTCTACGATTGGCAGCTAAATCTGCGAAGGATTTAAAAACAAGATG  
CGAGAGCCGAGATATCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTT

>trans\_c\_11068XM\_002328225|Populus trichocarpa cytochrome P450 (CYP87D12), mRNA

TATCGGGATCTTTGTACACTTCTGGATCTCTATGACGAGAAGCGGTCACAAGCATTACTGTCCATCCTTCCGGA  
AAACACATTCCTTTATTTGAATTTCTTTGGTTGT

>trans\_c\_11069XM\_002864795|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MA3 domain-containing protein,  
mRNA

TGACCTTGCTCTTGACATTCCATCAGCCAAATCGTTGTTTGAATCATTGATACCAAGGGCCATATCTGAAGGAT  
GGCTTGATGCTTCCTTTATGAAGTCTTCAGAGGAA

>trans\_c\_11070NM\_129647|Arabidopsis thaliana DPE2 (DISPROPORTIONATING ENZYME 2); 4-  
alpha-glucanotransferase/ heteroglycan binding (DPE2) mRNA, complete cds

CAAATTTTGAAATGGACAAGAACAGAATCATCCTCATCCAACTATGAATGAAATTCCTAGTGGTCTTTCTAT  
GCTCAAAGTTGAACTTCTTCCGAAGATGACATCTT

>trans\_c\_11071EF628206|Cucumis sativus cultivar SD-4 aminotransferase 2 gene, complete cds

TCTCTACAGACTTTGTGCACCAGTACCTGTGGTAGGGAACAAAAATGGAGTGCCTGATGTGGTTTTGAATATC  
TTTTTGACATCCTCAAGCAGAGTCTTTGTCAGTGCT

>trans\_c\_11072XM\_001689525|Chlamydomonas reinhardtii high mobility group protein  
(CHLREDRAFT\_189879) mRNA, complete cds

CCAGCTCATGGTAATGGGAAGAAATCTTTGGGAGTATTAGGATTCAGGGGAAGAAGGGAAGGCCTCAGGT  
CAAATGCAATGTTGCGACTGAAATAAACACCCAACTAT

>trans\_c\_11073AY217657|Cucumis sativus arginine decarboxylase (ADC) mRNA, partial cds

CAGGAGCTCTCGACTAAGACTATATCAAACGGAGTGATGAGAGACGATTGCTCGGCCACTTCACTGCAAAT  
TATTGGGTGCTTCACGGACCGACGGTCGCATACACA

>trans\_c\_11074XM\_002504601|Micromonas sp. RCC299 chromosome 9 condensin complex  
component, non-smc subunit (MICPUN\_61425) mRNA, complete cds

AGGAGGCAGCGGGGATTGACTTCCCCAGGGGGGAGCCTGAAGCCAGCGGCTGGCAGAGCATGGCGTCTT  
GCTCTTTTCCGTGTGCTCCTCCTACTGCGCGGTCGCCC

>trans\_c\_11075Novel Gene

TTGTGATTCTGGGTGTCTTTGTGCATATTTGTTTCAGGGAAAGGATCCCCGAAATAACCCATCGACAACAATTT  
GGTCCATCTTATGAAATACTTTACTCACCTCATCC

>trans\_c\_11076XM\_002303755|Populus trichocarpa light-harvesting complex I protein Lhca2  
(Lhca2-2), mRNA

GCGAAGACGGTGGCGTGGCCGGGATCGGCAAGGTGAGCGAAAAGGTTATCAATGGGACCGGTGCCCGTGTA  
AATGTGTTGGAACCAAGTTCCCACTACCGCCAACATAG

>trans\_c\_11077GQ998373|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 clp protease  
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

CGATATGAGAATTTTTTTTTCTAAACCATTAGGTTATGTATCGAAAGAGTAGTATGAGATAAAAGGCATTTCGG  
ATCACGAGCTGAGGGCGATATTAGGAACTCCCACT

>trans\_c\_11078NM\_179192|Arabidopsis thaliana GR-RBP8; RNA binding / nucleic acid binding /  
nucleotide binding (GR-RBP8) mRNA, complete cds

GCTTTTTGACTGATTCTTGATGTGTTATGATCGCGTGTTGGTGGTTCCTATATGATTCGTCTAGTGCTGTTTTG  
TTATGGGTTGTGTTTAAAACGAGTTAGAGAGCCT

>trans\_c\_11079NM\_113232|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT3G23300) mRNA, complete cds

TGAAGCTTATGCACAGGATGAGGAGGATCTGAGAATTTGGAGAGAAATGAGTGACCTTGTGGGTCGTATGTG  
TTGGCGAATTGCTGCCAAGAGAAACCAGACTGTTATT

>trans\_c\_11080GQ351365|Panax ginseng polygalacturonase inhibiting protein (PGIP) mRNA,  
complete cds

GGAATAAGCGATTTGAATCTAAGCCGAAACTACCTAACCGGAAACTTACCGGATGTTTTCGGGCAAAGATCGT  
ACTTCACAGTTCTTGATTTATCGTACAACAACCTTGA

>trans\_c\_11081Z31581|P.sativum (miranda) mRNA for chloroplast outer envelope protein 86

AATGAAGAAGTACCCTCCTGATATTGTTCTTTATGTGGACCGGCTGGATAACCAAACCAGAGATCTTAATGATC  
TGCTGTTGTTAAGATCAGTATCACTAGGGGAACCA

>trans\_c\_11082XM\_002333752|Populus trichocarpa cc-nbs-lrr resistance protein, mRNA

TACCTGGTTGATCCTGCCAAAAGGAAAGTCTAAAGTATGTAGGTTTCTCGAAAAATCGGGTGATAAAAAACCA  
TCAAGCTAGCACCTTAAATAAAAAAAGACATAAAGG

>trans\_c\_11083Novel Gene

ATGCGCGTATAGTTATCAAAGAGTAGAAGTTCATATTCATCAAGAGTCAAGACGAGCGAAAGCGGCTCGAC  
TGTCAGGAGAGGCTCAATGCAATATGAGTTAGGACCA

>trans\_c\_11084Novel Gene

AATGGTGGTTATGGTCGTCGTGACGATGACATGCATTCTTTCCACTGTGGCGGCGGTGGTGGCGGCCGGTTC  
GGCCTTGACATGGGTTCTGGTGAAAGGCGATGATCAC

>trans\_c\_11085AB286962|Nicotiana tabacum NtMATE2 mRNA for multi antimicrobial extrusion  
family protein, complete cds

AGAGTGAGCAACGAACTTGGAAGTAGGCATCCAAAATCAGCAGCATTTTCTGTTGTGGTGGTGAAGTGTGTTG  
CATTCATCATCTCTTCCTTTGTGCTGTAATTGTAC

>trans\_c\_11086Novel Gene

TCTCTTTCTCTGATTCAAACCCTAACACTTCACAATCCAGCATTATCAGAGGATCGCCTTCAAGTTTCATACGCA  
AGCTCATCAAATCAGTGATACTTTTGAACGGTTT

>trans\_c\_11087AB006807|Cucumis sativus CS-ACO2 mRNA for ACC oxidase, complete cds

GACCTTTAACTCACCTCGGCTTTGAGGCGAATTGTTTCATTACGGATTTGTAATCGTCGGATAGTTCTGGGAG  
ATCGGCGATGTTGGAGACCGGGAGATGACGGAGGA

>trans\_c\_11088M15265|Cucurbita pepo (zucchini) phytochrome mRNA, complete cds

GGAACCCGTGTTTTTCATCTAAGGCCTTATAGCAACCAAATGGTTGGATAAGCTTCCCTTTCTGTATGTGGTGG  
AGATAAGCTGTTGTAACCTTTGTCTGACCTAGGTTG

>trans\_c\_11089FJ708817|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

ACAGTTCAATTTTCCGACAATAAATTGACCGGAGAAGTTCCTTCCGGCTTCGACAACGAACTATTTGTCAATA  
GCCTAATGGGTAATCCCGGTCTATGTAGCCCGGAT

>trans\_c\_11090XM\_003074034|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g00210) mRNA,  
complete cds

AATGGCTCGCTCTTTCTCCAAGTGGCCTCGAAGAGAATAGTGGTGGGAATCGTTCGGAGAAGAAAGGAGACA  
ACTGATGTGTTATATAATAATAGATTACGAGACCTTC

>trans\_c\_11091XM\_002331880|Populus trichocarpa white-brown-complex ABC transporter family,  
mRNA

GATGGCTATTGCCAGTGTTGTCCCAACTTCCTTATGGGCATCATCATTGGTGCTGGAATTCAGGGTATCTTTA  
TGTTAGTTTCTGGATACCCCGAATCGTTGGGTCTG

>trans\_c\_11092HM049166|Nicotiana tabacum cultivar Xanti G-strand specific single-stranded  
telomere-binding protein 1 (GTBP1) mRNA, complete cds

ATCCTTTAGATGAAGAAGGTGATATTGAGGGTCTGGTACAGATGGAGAGACTGAAGGTGAGATATTTGGTA  
GCTCTGAAGCTGCTAGTCTCTGAGGTGTCCTGCACCA

>trans\_c\_11093XM\_002314848|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA



CGCTTTTGTTATAGAACGGGGGAAGTGACCCAAGTTCATAGATGCGATTACTCTTCTGAAGCTTCATCCACCA  
TTCAATCTTCTCCGTATACCCACCATTCCTCCATT

>trans\_c\_11094AY059938|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T16K5.7) mRNA, complete cds

CAAAGAGCAATACCCATCTTAAAGAAAGCATTGGGCGATAGCATGCGCAAAGTTTTGCATGTAGGTCCCGATA  
CCTGCTCTGTGGTATCTAAACTATTGAAAGAAGGTG

>trans\_c\_11095GU295068|Gossypium hirsutum thiazole biosynthetic enzyme mRNA, complete cds

ACCCAGTCCTGCATGGACCCCAATGTGATGGAGGCTAAGGTGGTTGTGAGCTCTTGTGGCCACGATGGACCTT  
TTGGCGCTACCGGACTCAAGCGCCTCAAGATACGAT

>trans\_c\_11096XM\_002874133|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata prolyl oligopeptidase family  
protein, mRNA

CCCAACAGCCGCCGCCACCCTCGGCGTCCCAAAAATAACCAACCCTACCTCACAAGTTCCTCTGAATGAATTC  
CCAGATTCTCTTCCATGTAGATCCGATCTCGAT

>trans\_c\_11097XM\_002891691|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata sodium/calcium exchanger family  
protein, mRNA

AGAAGTTATTTTCAAGAATTGATGTGAACAAGGATGGACTTCTTTCAGCTTCTGAACTGAGAGCACTAATCGTT  
GGTATTCAGTTTGACGAGATCGACTTAGACCATGA

>trans\_c\_11098NM\_001189444|Oryza sativa Japonica Group Os11g0170400 (Os11g0170400)  
mRNA, complete cds

GGCATTTCAATTTCTTCGAGAACCCTTCTAGTTTCTTCTTGGACAAGAACGAGGCATTTCTTAAGAAGGTTATA  
TTCCGAATTTAACCTTTTAAAAAGAGCACGTACA

>trans\_c\_11099NM\_001064075|Oryza sativa Japonica Group Os06g0330400 (Os06g0330400)  
mRNA, complete cds

GAAATTCAAGCTCTGATAGGCAAACACCGTCCTCGAAGGATGGCAGTACACGTGTGTTCTATGGAAGCAGAG  
CGTTCTTCTAACTTCGGTTTCTACATTCAGACGAA

>trans\_c\_11100NM\_129255|Arabidopsis thaliana SIGF (RNA POLYMERASE SIGMA-SUBUNIT F); DNA  
binding / DNA-directed RNA polymerase/ sigma factor/ transcription factor (SIGF) mRNA, complete  
cds

ACGACTTATTGCAGGAAGGAAGCTTGGGACTTATGAAGAGCGTTGAAAAGTTCAAACCACAAGCTGGTTGCC  
GCTTGCCTCTTATGCTATATGGTGGATTACCGTAAG

>trans\_c\_11101CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

TCAGCCGGAAGTGAAAGAAGAGAAACCAGAGTTCGATCCGATCCTGCTGCGCCCTGTTGACGATCTGGAATT  
GACTGTCCGCTCTGCTCCACTCCATGATGGTCACGAG

>trans\_c\_11102NM\_001062385|Oryza sativa Japonica Group Os05g0479900 (Os05g0479900)  
mRNA, complete cds

GGGGGTAATCACCGGGGCGCGGGCACGATCCACCGGGATACATGTTGGCTAAAGAGTCGGTCGATGAAGGA  
TTGGGAAATGACCAAATATCCCCTCTAAATCCTACGT

>trans\_c\_11103NM\_001112289|Zea mays protein disulfide isomerase7 (pdi7),  
mRNA gb|AY739289.1| Zea mays protein disulfide isomerase (PDIL2-2) mRNA, complete cds

CCTACGTTAAAATTCTTCCCAAAGGCAACAAAGATGGTGAAGACTATGACGGTGGCAGAGATGTTGATGAC  
TTTGTTAGTTTCATTAACGAAAAAAGTGGGACCAATG

>trans\_c\_11104NM\_128517|Arabidopsis thaliana THIC (ThiaminC); ADP-ribose  
pyrophosphohydrolase/ catalytic/ iron-sulfur cluster binding (THIC) mRNA, complete cds

TCAAAGTTTGGTTCATCACCAGATAAATGAACCCGACGAAAAGGTACTTTGAGCACATGCCAGTTTCTTCATG  
AACGACTTCCTTGTGGGGAATGAAGCCTGGTCCGA

>trans\_c\_11105BT030338|Arabidopsis thaliana At2g26280 mRNA, complete cds

TGTGGAAGTACAATGGAAACGGTTCTGCTGATGACTCTATTGGCTCAAGTAGAAGTTCTCATATGTTAACTAG  
CAAGTACACTACTGGTGGACATGGGAAAGACACCTA

>trans\_c\_11106AL161596|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 92

TACACTGTCTTGCATATATACCTACTTGGAGTTAGAGCTAGATGTGAGAAATTATTTGAAGGTTGTTCAAGTGC  
AGAAACTGCAGCTAGATTTTGAAACTGATAGGAG

>trans\_c\_11107EU735752|Cucumis sativus plasma membrane proton pump (HA2) mRNA, complete  
cds

GATGCTTCCATTTTAGTTCCTGGGGACGTAATCAGTGTTAACTTGGGGACATTATTCCAGCCGATGCTCGTCT  
TCTGGATGGGGATCCACTAAAATTGACCAGTCTG

>trans\_c\_11108FN563103|Pyramimonas olivacea plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain M1668

AAAACCAGGGGTTCAAGGGATGAGCTGTGGGTAGGGGTGAAAGGCCAATCAAACCTCATGAGCGATCAACCT  
CTTTTAGGGCATAAACTCCGCGTTACTGGTCAGGGAGT

>trans\_c\_11109DQ099681|Solanum lycopersicum ethylene overproducer-like 1 (EOL1) mRNA,  
complete cds

AGATTGCTGGATTCAATTGTATGATAGATGGTCTTCAGTTGATGATATCGGGTCTCTGTCTGTAATCTACCAGA  
TGCTCGAGTCTGATGCGGCAAAAGGTGAAGACGCA

>trans\_c\_11110NM\_179754|Arabidopsis thaliana plectin-related (AT2G26770) mRNA, complete cds

CTCTGGGTTTCATATCTTCATATCCAACCTTCTTGATGATACTTCTCCAGACCTTTCAAATGCTCTATCCAGTGGTA  
TCGCGCGATGCTCAGGGACCGTTGTGAAACGCC

>trans\_c\_11111AY107938|Zea mays PCO066126 mRNA sequence

AGATTTAGCTGAAAACTTGAGCAGGTGGAGAATCAGTTAGCTCACTCCCGCTTTGGGCCATTGATAGCTCCT  
TCTCAGAGGATCTTCCTCCTTCTGACCCAACTTGCT

>trans\_c\_11112XM\_002326080|Populus trichocarpa PAF1 complex component (PAFC901), mRNA

CCTGATTATACATAAGCAGATGTACGTGATACTTTTACAACAAAACATAGAAAAGTAGCGGACACATATTATA  
GTTGAATGAATTATACTTCTCTTGCTATTACAATCT

>trans\_c\_11113AY664417|Zea mays cultivar Mo17 locus 9002, complete sequence

TTGGACATCTTGTTTGGGCTACACCGAAATACCCTCCGGCCCTTCAATATAAGCGCCAATGGAGGCCAGCCAG  
GGTTTTAGCATGGGCTCACGAACGCACAGGAAACGC

>trans\_c\_11114GU171563|Ipomoea batatas microsatellite Stv\_lpb\_200 sequence

GAGTGGGACTATTTCCAATAATTCATATCTTCCGTGCTGCTTGGGATTTGTTTCTGCCTTATCTTCTTAAGTTG  
GTTTTGGAATTCATCAAGTTATCTTTTGGTTTTT

>trans\_c\_11115NM\_001060924|Oryza sativa Japonica Group Os05g0102900 (Os05g0102900)  
mRNA, complete cds

AAAGCAAAAACGAATGTATGAAGGACAACGTGACATGCTTTACAATCAGACATTTAACTTAGATCAAGTTGCA  
TTTGCCTCGGAGGGCATTAAAGATATCTGTGTTTGC

>trans\_c\_11116Novel Gene

GAGACATGGGGATCGTATTGGATAACCCTGGGTTTCCTTTGAACCCGTAAATAATGAACCTGCTATAAACGTT  
AAATAAATGTATGCCGAACCGTACTACCGGGTGAAA

>trans\_c\_11117NM\_001062650|Oryza sativa Japonica Group Os05g0528000 (Os05g0528000)  
mRNA, complete cds

CATCCAATACCGTCACAGAGCAGTGTTCAACGTCATGGGTTACTGCGTTTCAATTGCTAAAGGAGGAGCAGAA  
ACTCTTTTTAAGTTGTACCGAGATTAAATCTCCCT

>trans\_c\_11118NM\_179665|Arabidopsis thaliana PIL5 (PHYTOCHROME INTERACTING FACTOR 3-  
LIKE 5); DNA binding / phytochrome binding / transcription factor (PIL5) mRNA, complete cds

TGGATGGGAAGTGGGATGGCGCCCATGATGTTTCCAGCGTTCAACATTACATGTCTCGAATGGCTATGGGCA  
TGGGTATGGCCCAACCTTCAATGCCTTCAATCACA

>trans\_c\_11119XM\_003078080|Ostreococcus tauri Low density lipoprotein receptor (ISS)  
(Ot03g02160) mRNA, complete cds

GGTGGGTTTTAGATCCAGATGGACGCGTCAACGGAGGCGTAACTAACTGCAACTCTTCAAACCTAATCGTCT  
TCGTTTCAATCGGAGGCAAGGCGAAGACCAAAAACC

>trans\_c\_11120XM\_002882442|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT-IMP, mRNA

GCAGTACCAATTTTTGGGCCTAGCAGCGCTTCTCCTAGTGACGATGTTTCGAGAGCAGGCTGTTTGGGCTTTGG  
GGAACGTTGCTGGAGATTCCCCTACATGCCGTGATC

>trans\_c\_11121FJ231522|Cucumis melo hexokinase 1 mRNA, complete cds

TCAATATTGAATCCCTTTGTCCACTTTATAAGTGTCCCTGAGGCAATAGATGTTTGTCTAACTGGGAAAGAAAA  
TGTAACACCCAGCTCTCTTTGTCTACCAGATACCG

>trans\_c\_11122NM\_113232|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT3G23300) mRNA, complete cds

TGAAGCTTATGCACAGGATGAGGAGGATCTGAGAATTTGGAGAGAAATGAGTGACCTTGTGGGTCGTATGTG  
TTGGCGAATTGCTGCCAAGAGAAACCAGACTGTTATT

>trans\_c\_11123Novel Gene

AACCTCCAACCAAAGCATATAATGAGAATTTGCATCAAGTGGGTCTGTAGAAATTTAACTTTTTATGTTTTTAC  
TTTGATTGATGGGCATGCTAGAACGCGTCCTGGT

>trans\_c\_11124GQ997978|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 ribosomal protein  
L22 (rpl22) gene, complete cds; chloroplast

CTAATAGCAGCAAATGCTAGCCACAATATGGGTTTCAACGAAAGAGATTTAGTCATTAGTAAAGCAGAGGTCA  
ATCAAGGTACTACTGTGTATTTGCCGGTTGGACGAG

>trans\_c\_11125DQ455238|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BC43M23\_169 sequence

GACCACGGAACCAACCAACTAGACTATTTGGCCCATTCATTTGGTTATTCATACGCATCTCTTGTAGGATCTT  
TTGCACGGAGGACTGTGTTTCACTAGGATCAGCA

>trans\_c\_11126AB183015|Solanum lycopersicum LeSDH mRNA for sorbitol related enzyme,  
complete cds

CGAATTGTCATTGTCGATGTCGATGACTATCGATTGTCTGTTGCAAAGGATCTTGGAGCAGATGAAGTTGTTA  
AAGTTTCAATTGACACTCAGGATGTAGATCGAGATG

>trans\_c\_11127AY094053|Arabidopsis thaliana AT5g02020/T7H20\_70 mRNA, complete cds

GACAATGATGCAAATGAAAGTAATTCAAACCTGCTTCAAGAGGAACTGGTGAAAGGCTCTCTTTATTACT  
AACGCTCCACCTCGCGTGCTTTATTTGAGTGGTGCA

>trans\_c\_11128FJ853612|Brassica juncea natural resistance-associated macrophage protein 2.8  
(NRAMP2.8) mRNA, partial sequence

AAGGAAAAATCTAGTTTTGCCAGGTCGGTTTTACCACATAAGGAGAGAGAGTTTGTACCCAACATGGCAGTTG  
AAGGAGCAAATATGCAACCTCACTCCCAGAGCAGCA

>trans\_c\_11129NM\_001054719|Oryza sativa Japonica Group Os02g0759800 (Os02g0759800)  
mRNA, complete cds

GAAGGAGAAGTTATGTATGATCAGAGGCTATTTAACCAAGATAAAGGAATGGACTCTGGATTGCCAACGAT  
GTGGTCATGTTGTATACGTCGGGAAACCCGCCCGTTG

>trans\_c\_11130BT030089|Arabidopsis thaliana At5g54400 gene, complete cds

CATCGTTTCCTTTACCAAGCCACGTCATCACTTTGTGGGCTCTGGAGAGGTCCGGCTTGACTGGAGATGCTGAT  
CTCATCTGCCACCTCCTACTTTTAACTTTTTTCAA

>trans\_c\_11131NR\_023059|Arabidopsis thaliana (AT4G38215) otherRNA

GTCCTTTCGGGACAAGGCCTGCTTCCCACCCCCCTCCCTTGCTGTCTAAGCTCTCCTTACCCTGCTAGCCCCA  
CTTACTAGGAGGAAAAGAAGGCTGTTTTACGGA

>trans\_c\_11132Novel Gene

GATTGATCTCAAAGTATGGGAATAGGACGGCGTTTTTCATCGCCTGATCGTGATTACATCAACTCTCCTTCTCC  
TCTCGGTAGCCCTCTCGCCTAAAAACCAAGGAGAC

>trans\_c\_11133NM\_001051434|Oryza sativa Japonica Group Os01g0865600 (Os01g0865600)  
mRNA, complete cds

AAGATATGGGCGCGATTTGCCGTTGAGGCTAACAGGGATGTAACTCGTATGGAAATATTCATGTCACTTGTTT  
ACCTGTTGGAGCAGACGCTCTTCCGTTGTTGTGTG

>trans\_c\_11134Novel Gene

CGATTGATGATGATAATGGCAGCACAAAGATCTTTTACACAGCCTCAGACTTATCTCTTTACCTGGATGTCCCC  
TTTCTTTTGTAGGGGATTGTAGTTCAATTGGTCAG

>trans\_c\_11135BT003114|Arabidopsis thaliana At3g10190 mRNA, complete cds

AGAACGGGGATGGGTTTGTGTGTTTCGCGGAGTTTGTGCGTATGATGGAGCTGCAGAGATGAACGAATGAAT  
GAGTGTACGGCTCTTGATACTTTTTTACGATGGTGCC

>trans\_c\_11136DQ148271|Beta procumbens nematode resistance protein (Hs1pro-1) mRNA, partial  
cds

AGATGAGGAGATGTCCGTACACGTTAGGGTTAGGGGAACCGAATTTGGCTGGGAAACCGAATCTTGATTACG  
ACCTAGCCACGGATTGGGTAGATCCTATTTCTCAGA

>trans\_c\_11137GU012017|Castanopsis fargesii microsatellite CFA61 sequence

AAGAAGAGTTTCTAGATAAATCAAAGGGAAGAAGACAAACGCACACATACAAATACATTTGCTGCTGATCAAC  
CTTGAGGAAGAGAGATGTATTCTTCGTTTAACACGCC

>trans\_c\_11138NM\_129911|Arabidopsis thaliana RWP-RK domain-containing protein (AT2G43500)  
mRNA, complete cds

CTACAAAGGAGAAGTCTGATTTTGATGCAGAGATTGACATTGTTTCCCGAGCACTAGAGATTGTCAGCTTGAG  
AACTGTTGCACCTCCTCGATTATATCCTCAGTGCTT

>trans\_c\_11139NM\_121476|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT5G14720) mRNA,  
complete cds

AGCCTGTCATAGCTACCCTATTGCGGGAGGTTCTGAAAGCTCTTGTTTATCTTCATGCTCATGGCCACATCCAT  
AGAGATGTTAAGGCTGGGAATATTTTGCTTGATTC

>trans\_c\_11140XM\_002882827|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GDSL-motif lipase/hydrolase family protein, mRNA

AGTGGCGTCCCCTAGGTAACCATAGCTCAGATATTTTATGGGTAAAGACTATTCCCCGACCTACGAAAGGTCT  
CATAGAGCTGGGATTATACAATATCATCAAAGCAGA

>trans\_c\_11141NM\_001057591|Oryza sativa Japonica Group Os03g0711400 (Os03g0711400)  
mRNA, complete cds

ATGGTCGTAAGGCTGGTCTTTCTCTCCAACCTAAAGACAATCATGCCACTGTCATGCCCTGCTGCCAATAAA  
TTCATCTCCGGATGAGCAGAAAGAATCCAAAATCT

>trans\_c\_11142XM\_002306638|Populus trichocarpa GRAS family transcription factor (GRAS50),  
mRNA

CGGTTGAAACGCTTTCATCTGGCATGTGGTGAAGCAGAAAAGCAAAGTTCACTATGAGTGCTTCTCCAGGCTT  
GGAGGCAAGCATTGAGGGTGTAAACGTCAGAAGCATT

>trans\_c\_11143Novel Gene

AGATGAAGATTCTCTAGTTGATATGTTCTGCACAATGCTGGGACATCCTGAGCCCCGAGCAACGATACATAGCT  
CTTCAGCAGTTGGGTAATTTAGTTGGCATAGCGTGT

>trans\_c\_11144Novel Gene

TCGACGAGACGCCGACCCCTTTGGAACGTCCTAGAGCCGTGATATACCACTGTTTTTAAACCTCACGAGACAA  
ACTTCTCAGCGTGAAGCTCTAATATCACAGTGAAC

>trans\_c\_11145AF029895|Triticum aestivum acetyl-coenzyme A carboxylase mRNA, complete cds,  
nuclear gene encoding plastid protein

TTCACCTCAGTTAGCAAGTGATTGTAAATTGTTTGATAGGTGTACTTGTCTCAACTGTCATAGGCTGTTAATTAC  
TCTCGTTTTTCAAAGCTTAGAGGCAGTTAGTTT

>trans\_c\_11146AY105061|Zea mays PC0096106 mRNA sequence

GACTAACCGGGCATACTGTGTCCAAGTTATCTGGACCCAATTGATTGATGATACCAGGCAAGATATCCTGCA  
ATTTCTTTGTTGAGGAGAACCACTAACGACCCACG

>trans\_c\_11147NM\_001069620|Oryza sativa Japonica Group Os09g0392000 (Os09g0392000)  
mRNA, complete cds

GGAACAAGATGAATGGGTCTACAGTGATGGGAAATCCACAACATGTGTTGCCTTTATCCTCGCAATGTACACT  
TCTTAGTTCCGCGGGTTGAAGTGCGAACGCTCCATT

>trans\_c\_11148XM\_002509005|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12 DMC1 DNA recombinase  
(DMC1) mRNA, complete cds

ATGAGCATCATGACGGTGTGCCTGATGAGGAGGAGGGCGATCATCAACACAAAGACAAGCATGGACATAGA  
GGTCAAAATCAAGGACGAACTAGAAGACTTTCTCGTGG

>trans\_c\_11149Novel Gene

CCCAGGACATGGGTACGAAGTTTTAAAGGAACGGTTCGATGTACTTTCTCTAAAGGCCTTCAGGTGTCTTTTAA  
ATAACGATTATGCCCCGAAATGAGAAGCAAAAATAT

>trans\_c\_11150NM\_119206|Arabidopsis thaliana signal recognition particle receptor alpha subunit  
family protein (AT4G30600) mRNA, complete cds

CGATCCAAAGCGGATGGTCTATGATGATTTTGACGAACTTTTAGGCAACTTAGAATGGAAGCTGAGGCTCGT  
GCTAATGAGTTGAAAAAACAAAGCAGGTTTTCCCT

>trans\_c\_11151FJ945107|Populus balsamifera isolate WHR03 locus 656445 genomic sequence

TATATTTTCTCTCTCAACAAGAAATCATTACTCGTATTGCCGGGATAACAAGGCTACCTCTCTTCTTGATACT  
AATCGAAAAGCCCTTTAAAGGTTTGCCACCAAA

>trans\_c\_11152XM\_002882114|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nodulin family protein, mRNA

ACATTGGCACTCTCATAACGGGGCTCGGTTACGGGGCTCACTGGGCCATTGTACCTGCTACTGCCTCTGAATT  
GTTTGGCTTGATTTTCAAACCGCGAATATACCCAGG

>trans\_c\_11153Novel Gene

GCATCTAAGCGGGAAACCTATTCCAAGACCAGGTTTCTCACCCTTTTAGAGGGATAAGGTCACCCACAGACTA  
TGGGTTCAATAGTGGTCTGGACACCTACATCATTAT

>trans\_c\_11154NM\_105153|Arabidopsis thaliana binding (AT1G64790) mRNA, complete cds

AGAGTGTTGTGGTGCCATCTTCTGTAAAATGCTTAAACGCAACCCTGAGATTGTGTTGGATTCAGTGTCATTC  
TGTTTACAATCGGTCACCCTTGCGAGCCTGCCCCAT

>trans\_c\_11155XM\_002304310|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,  
ABC transporter family, mRNA

ACCAATGGTGACAAAAGCATAGAGACCACCAGCAAGTGCAATCAAAGGGACAATAGATAATGTGACAAGACT  
GATTTGCCATACTCTCACAAATCCAATGATAAATCCT

>trans\_c\_11156NM\_001125496|Arabidopsis thaliana WRKY19; transcription factor (WRKY19)  
mRNA, complete cds

TGGGTTTTAGGCAGGCTTCTTGGGCGCGGTTCAATTTGGATCAGTGTACGAAGCAATTCAGAGGATGGGACA  
TTTTTGCCTCACTCTTCAAAGTGACGTCGATGAAG

>trans\_c\_11157NM\_001056811|Oryza sativa Japonica Group Os03g0390600 (Os03g0390600)  
mRNA, complete cds

TACACCTCCACTATACCGAGACCTTTGCGTCTAGTCAGAACTTCAGGACCCGTTAAAGTGCTTGGAGCCTCTGG  
AAGGGCAACTTCCTGATCAAAAGCTTAGTACTCTT

>trans\_c\_11158Novel Gene

AGCTTAGCATTTCTGTATTTTCGATGCGGCTCTACGTACTGGAATGATCAACAGTCATCCGAACCAACGGCTACA  
CTTCGACCGTATTCGCGGGATAACAGACAGCCCTT

>trans\_c\_11159AY596190|Cucumis sativus shikimate kinase mRNA, partial cds

ATGCATACTCAAAGACCCTCGTCCGTTTATCTACTCTTCTGGAAGAGAGGGGCGAAGCATATGCCAACGCTGA  
AGTCACAGTTTCCTGCGAGTATTACGCAGTACCTGC

>trans\_c\_11160Z97558|Arabidopsis thaliana mRNA for argininosuccinate lyase

CAGAAGAAAAATCCAGATCCAATGGAACCTTGTTCTGTTGGGAAGTCCGCAAGAGTTATCGGAGACTTGGTAAAC  
ACTCTCACGTTATGCAAAGGTCTGCCTCTTGCCTACA

>trans\_c\_11161AY819050|Annona cherimola x Annona squamosa isolate Taitung-004 18S ribosomal  
RNA gene, partial sequence

ATGTGAAACTGCGAATGGCTCATTAAATCAGTTATAGTTTGTGTCGTTGCGGACGATACATGGATACCTGT  
GGTAATTCTAGAGCTAATACATGCTAAAAACCCCGA

>trans\_c\_11162NM\_115105|Arabidopsis thaliana PUB22 (PLANT U-BOX 22); ubiquitin-protein ligase  
(PUB22) mRNA, complete cds

GGAAAAACGTGGCTACAGGCTCGATACTCTCTATCGTAAGTAATCCCAGTGGACAAAATCACAGGGTCCTT  
CATCAAATCAAGCGAAATCGGACACATATAATGTGA

>trans\_c\_11163XM\_001695859|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CAGGAAAAGTTGTTCTTTGAATGCACCTACCGAGCTCTCATCCTCGGTTTGAAGCAACGGTAGAATCTCATAC  
TCCTTTAGGCCTTTTCGGTCGTCGAAGGAGTCCGTC

>trans\_c\_11164GQ464804|Acidosasa gigantea 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal  
transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete  
sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTCAAAGAAAAGGAGGCGAATATGATATGCTTAAACTCAGCGGGTAGTCCCGCCTGATCCGAGGTCAACCCA  
AGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCCAG

>trans\_c\_11165AB124646|Nicotiana tabacum NtTPC1A mRNA for two-pore calcium channel,  
complete cds

ACCACTACAATAAGGTCCTGGGGGGTTGAGTCCTACTGCGGACTACTGGTGACGTTTATGGGACAGCATGC  
GTTAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGG

>trans\_c\_11166NM\_106534|Arabidopsis thaliana curculin-like (mannose-binding) lectin family  
protein (AT1G78860) mRNA, complete cds

GAAGCCAATCGCGCCGTCCAGTTCGCGAAAATGCCACACTCTCTCTCGGCTCCGACGGAAACCTAGTCCTCG  
CTGATCGACACGGCACCGTGTGCGTGCAACAACCAC

>trans\_c\_11167XM\_002320913|Populus trichocarpa s-adenosylmethionine synthetase 4  
(AdoMet4), mRNA



CTCACTGAAGTTAGAAAGAATGGCACCTGCCCCTGGTTGAGACCTGATGGCAAGACCCAAGTCACTGTTGAAT  
ACTACAACGACACGTGTATTGTGCATGTTACAATGT

>trans\_c\_11168HM772000|Scleropodium touretii isolate OR\_Mar159 photosystem II 32kDa protein  
(psbA) gene, partial cds; chloroplast

ACGATTAGAACCATACAGAAGTTATGCATGAACGTAATGCTCACAACCTCCCTCTAGACCTCTAGTAGCGCTCC  
TAGAACGAGCGACCGTTAGCCTCAAAAAATGGAAT

>trans\_c\_11169NM\_101138|Arabidopsis thaliana PEPKR2 (Phosphoenolpyruvate carboxylase-  
related kinase 2); ATP binding / kinase/ protein kinase/ protein serine/threonine kina> (PEPKR2)  
mRNA, complete cds

GAGAATGCTGACAAGAGATATTTTCAGCTAGGATAACAGCAGAAGAAGTCTTACGACATCCCTGGATATTGTTT  
TATACCGAACGTACGTTGAAGGCTCTCCCGATCAAA

>trans\_c\_11170XM\_002884277|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata regulator of chromosome  
condensation family protein, mRNA

AACGCACTGTCCTTCACGTGTAAGTACCACAGAATGTGTACCTCCTGCAGCAACCTGACGAACTATTAGCTTTG  
GAGCACATCGTTGAGGAATTGCCATATCTCTTCTC

>trans\_c\_11171NM\_130008|Arabidopsis thaliana BGLU15 (BETA GLUCOSIDASE 15); catalytic/ cation  
binding / hydrolase, hydrolyzing O-glycosyl compounds (BGLU15) mRNA, complete cds

AGATGGAGTTTCAATTGGTCCAAAGGTGAGGAAAGATTCTTGGCTTGCAGTTTATCCTCAAGGATTGAAAGAT  
CTCATGATACATATAAAGAAATATTGTGGAGACCCA

>trans\_c\_11172AF172282|Oryza sativa adh1-adh2 region

CAATATCTCAAACCCCATCTGAAGGAAAGTATGCATGCTCAAACAGGGATGAGACTGAAGGCTGTAGAACTTT  
GGGTGGTGATTTGGAGAAAGGGCCTTTACTTTGGTG

>trans\_c\_11173AF521177|Hordeum vulgare contig 211252, complete sequence

AGGCATTGGGCAGAACCTATAGCAGAATAGGGTTTGACTTAAAATTATTATACATAAAAAGCAGAAAACTAA  
AACTACAAACATACTCTTTTGATTGAAAAAATTGCA

>trans\_c\_11174AY103787|Zea mays PCO065117 mRNA sequence

ATCATTCAAACCATATTCAATTCCGATCTTAATCTCCCATAACCATGGACAACTCTCCCCTTACCACACTCTG  
CTTTTCTACACCATAGACACAGATTCCAGAGTC

>trans\_c\_11175EU447160|Vitis vinifera cullin 1 (cul1) mRNA, partial cds

ATTGGGTACTTGTAACATCAGTGGAAAATTTGAACCGAAGACGATGGAGCTGATTGTGACAACATATCAGGCT  
TCTGCCCTGTTGCTATTCAATTCTCGGACAGACTA

>trans\_c\_11176D79216|Cucumis sativus noncoding RNA for CR20

CGAGATGGGGGAGACATCGGCACTGCATGCTCGCTACCCAAGGTTAGATGCGGATATACAAGCTACTCGGCG  
GTGGGGAAAGTTTATTGCTCGCGGGTGAATGTAATAA

>trans\_c\_11177XM\_002301363|Populus trichocarpa GH3 family protein (GH3-12), mRNA

AGTTCATCTACAGCAGCAAGCAGTTCAAACTAATGGTGGTCTGGCTGCAGGAAGTCAACAACAAACGTTTA  
CCGCAGTGCACACGGGCCCCCTACATCGTATCTACC

>trans\_c\_11178Novel Gene

TTGCTTCAATCCAGAGAGAAAGTTGAAGACGCAGCTTAACGAAAGCTACTATCAATCATGGCGGAACCTTCGA  
TCACCATGGAGGTTGGAAATGAGCATGGGATGACT

>trans\_c\_11179EU373042|Gossypium hirsutum gland development related protein 51-like mRNA,  
partial sequence

AACCGCAAGTACATGAAGTGTGTATATGTCTACAACAAGATTGATGTAGTTGGTATCGACGACGTAGACAAGT  
TAGCCCGTCAGCCCAATTCAGTTGTCAAAGTGGTG

>trans\_c\_11180XM\_002882776|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

TGAGTTTGAGGTGGATGAAGAAGCCAAAGAGATGCCATGTAAGCATAAATTCATACAGGTTGTATCCTGCCA  
TGGCTGGAGCTGCGCGACCTCCATTTGTTTGTCT

>trans\_c\_11181NM\_001125512|Arabidopsis thaliana CPuORF60 (Conserved peptide upstream open  
reading frame 60) (CPuORF60) mRNA, complete cds

AAGACGATTTGAGAAAAGTTGTACAGATGGCCTTTCATCTCTCGGTTACGATTCTTCAATCTGTAAATCGAAA  
TGGGAGAAATGGGGAGACACAGGACCAGGAAGGG

>trans\_c\_11182Novel Gene

GATTCGATCTCAAAGTATGGGAATAGGACGGCGTTTTTCATCGCCTGATCGTGATTACATCAACTCTCCTTCTCC  
TCTCGGTAGCCCTCTCGCCTCCCCAACCTTCTC

>trans\_c\_11183J03769|Daucus carota 70kD vacuolar H<sup>+</sup>-ATPase mRNA, complete cds

AATCATGGGCTTCGATTAAACTGGTCTAGGAGTACGCACAGGCCAAGTCTGAAGCATGGTAAATTGCTTTTTA  
ACTCCTTGCCCATCGAGCTCTAGAACAGTATCCTT

>trans\_c\_11184DQ069787|Sesamum indicum cytochrome P450 monooxygenase mRNA, complete  
cds

AAGAATCCTTACCATATTTGTGGATGGTGGGATAAGAGGAAGGAGTGGCTCGTGAAGCAATATCATGGGAGA  
AGGTCATGGACTGCGATCTTGCTTGCCGGACAGCCA

>trans\_c\_11185AL161565|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 65

AAGCAGGTCGTCTTGCACTGAATACCTAGTTTCTCAAGGTTTGCTCCCATCTAGTGTTTTGTCTGGTAAATGG  
CAAGGTGGAAGTTTACAAAGGGTGAAAACTTTTT

>trans\_c\_11186GQ377447|(Populus tomentosa x P. bolleana) x P. tomentosa WRKY transcription factor 27 mRNA, complete cds

GCGACAAAACAAGTTCAAAAATCCGACAATGATCCAAATATCTTCGAGGTAACATACAGAGGAAGACACACA  
TGTAACCAATCCTCTAATTTGGGATCCTGAAAAGAA

>trans\_c\_11187NM\_118947|Arabidopsis thaliana binding (AT4G28080) mRNA, complete cds

AGCAAGAGCGTCCGGCTTAGGGGTGCCATTCGTGCAGCTTCCTGCTGCTCCAAGGCCTTTGATTCTGAAGTAC  
TCAAGCCATGCTGCTGCGTCCTGCGTCACTTAACT

>trans\_c\_11188AY221087|Solanum tuberosum cellulose synthase (StCesA3) mRNA, complete cds

TACATAAACAAACAGCAAGGCATTGAGGGAAGCAATGTGTTTTATGATGGATCCAAACCTTGCAAATATGTCT  
GTTATGTTTCAGTTTCCTTGGGAGCCCAGTTTGCGG

>trans\_c\_11189Novel Gene

AAAACCTTATGCTGTGGAGCAACTGCATTGATTTCTAAATACTAGCTTTTGCCCTCAACCACAACCATCTCTCTCT  
CTCTCTCTCTCTCTGGAACACACACATTTGA

>trans\_c\_11190XM\_002322673|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 7 (CPK7),  
mRNA

AAATGTAAAGAAAGCTCCTAATGTCTCCTTGGGAGAAACAGTGAGAGCAAGACTTAAGCAGTTCTCTGTAATG  
ACAAGCTGAGAGGGGAGATCTCGGAAACGATTCA

>trans\_c\_11191AY244810|Malus x domestica NAD-dependent sorbitol dehydrogenase 9 mRNA,  
complete cds

GGATGTAGATCGAGATGTTACTGAGATTCAAAAAGCCATGAAAGCTGAGGTAGATGTGAGCTTCGACTGTGC  
TGGCTTTGGCAAGACAATGTCAAGTCGGACGGGGAT

>trans\_c\_11192NM\_001058925|Oryza sativa Japonica Group Os04g0290800 (Os04g0290800)  
mRNA, partial cds

TTCCGTAGACGGCCATGCCCTCAAGCACCGTCTTTCCAGACCACTGGAATTCCCCCAAATCACCAGCGTCTCG  
TCTCCGGCATCCGCCAGATCGAGGACGATTCTGGT

>trans\_c\_11193NM\_001050629|Oryza sativa Japonica Group Os01g0721100 (Os01g0721100)  
mRNA, partial cds

TATTTGTGCTTTTGCTTTGTTAGAAAAGTATATATAAAAAATCAAATCCTCTGCCAGAGTTATCAAAGTTGT  
GTATTTGGTAGGTTCAAATAAATCTTCTGTTAT

>trans\_c\_11194AY126716|Fagopyrum esculentum fagopyritol synthase 2 mRNA, complete cds

GGGGAGCTGAACCTGCGTGTGGGAGGCTTGATGCCAGGACGGGACAACAACAAACCCTTTGCCCTCTCCACA  
GGCCATTTCACTTTGTCTGGGCATTGTTGGCAATAC

>trans\_c\_11195NM\_129058|Arabidopsis thaliana KUP11; potassium ion transmembrane transporter (KUP11) mRNA, complete cds

AACCAACATAGAACTGATGAGGAGCTAACACATATAGCCGCTCTAAATTCATGAGCAATCATTTGCTGCTA  
AGACTAAACGATGGCTTGAAAAACAGTCATCCAGC

>trans\_c\_11196AF432345|Tortula ruralis 26S proteasome regulatory subunit IV (RPT2) mRNA,  
complete cds

ATTCATACATCAAGAATGACGCTAGCTGACGATGTGAACTTGGAAGAGTTTGTAATGACCAAAGATGAATTTT  
CTGGGGCTGATATCAAAGCAATTTGCACAGAAGCT

>trans\_c\_11197U75207|Arabidopsis thaliana germin-like protein (GLP8) mRNA, complete cds

GCGACACCTCCCTCTGAGCACTCCATATTAGCAATCCCAAGAGTTGGGCGCTTCCTTGAAGCATCTTTTCCCGA  
ACTTCAGACCATTCTCATCTTGCAGTCGGAAG

>trans\_c\_11198L43351|Chlamydomonas agloiformis chloroplast large subunit ribosomal RNA (rrnL)  
gene

GACTTGCTCCCTGAGCGGTTGACAGCCGAGAAACCAGGCCGCTGCAACTGTTTATTAACATAGCACTCT  
GCAAACACGAAAGTGGACGTATAGGGTGTGATGCC

>trans\_c\_11199AF270503|Marsilea quadrifolia ABRH1 mRNA, partial cds

ACATTCCTGCCTCGGCTTTCTTGATTCTTACAATACTTTCTAAGCTTTCAAGGCCTTCTTCTTCGTCAATGCCCC  
AAATTGGAACTCGTCATCATTCAAGTCACTGG

>trans\_c\_11200EF373046|Nicotiana tabacum subtilisin-like protease (SBT1.1A) mRNA, complete cds

CCGGAGAGTAAGAGCTTTGATGATACAGGGCTTGGACCAGTTCCGAGTAGCTGGAAAGGTGAGTGTGAATC  
GGGTACTAACTTTAGTGCATCGAACTGTAACAGGACT

>trans\_c\_11201Novel Gene

GGAGAAGATATGCTATCAGCGAATAACCATGTAGTTTCTGCCTCCCATGAATCAGAAAAATACAAAAAGTTTG  
TCTGGGATTGTGAAGGCAAGACTTCCATGACCACC

>trans\_c\_11202Novel Gene

AACGGCACTTGACATGGGAATAAATTGAAGTATTGCTAAGTGAAAAAGTTTTTGATGGGTACAGTATTCTCA  
TATCTAATGATACCTGGTTGATTGGGTACTGATA

>trans\_c\_11203AJ703811|Cucumis sativus partial mRNA for proton-exporting ATPase (ha2 gene)

AACTAAAAACAATGATCTAGCGCGTGGCTGGTCGTATGCTGAGCGACCTGGACTTCTGTTGGTCGGTGCTTTC  
TTGATTGCACAGCTGGTTGCACAAGGTCGATACTG

>trans\_c\_11204XM\_002879971|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPAO2, mRNA

AGCAGCATCGGCTTTGAATGTTTTTCCGTTTTCCACTGTTATCTTCACTCCAGTATAATGCCTTGATACCTTTGTA  
ACCCTATGGCCTAATCGGATGTCAATACCCTT

>trans\_c\_11205GQ222185|Solanum lycopersicum cultivar M82 cutin deficient 2 (CD2) mRNA, complete cds

TTAGGGGTTAGGCAGGAAGGGGTAGGAGTTGTGTACATGCGAAATGGACGAATACGCAAGTATCGTGTTCT  
GAAATGATGAGTTCGACGCAATATATGGGTAGTGGTT

>trans\_c\_11206GQ998469|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 photosystem II protein D1 (psbA) gene, complete cds; chloroplast

GGTTCCTTGTTAACTTCTAGTTTGATCAGGGAAACCACAGAAAAGTTTAGACGATTCAGGAACCGTGAGCCTT  
TGAAAGAGGAAGAACTTATAATATCGGCTAGTAG

>trans\_c\_11207X93175|H.vulgare mRNA for xyloglucan endotransglycosylase-like protein (XEB)

ATGATGCTTGTCCTGGAACTCTGCTGGCACTGTACCACCTTTATTTGTCTTCTGAAGGAACAAGTCATGA  
TGAGATTGACTTTGAATTTTAGGCAATTTAACG

>trans\_c\_11208AJ580824|Lotus corniculatus var. japonicus har1 gene and genes for transcription factor homolog BTF3-like protein, S-receptor kinase-like protein 1, S-receptor kinase-like protein 2, S-receptor kinase-like protein 3 and SAR DNA-binding protein-like protein

TGTTAATTAGATGTGCTGTGTGTGTGATGGAAGGAAAATTATTGTTTATGGTTTGATTATTGGTGTGTGTTCA  
GGGCTTATGTGTTTTGTGAATATGATATTTGGAA

>trans\_c\_11209D50407|Cucumis sativus mRNA for glutamyl-tRNA reductase, isozyme 1 complete cds

CGGGTGGGCCCAAAGCCTGGAAGGATTCTCTTGAAACTGTTCTACCATCAAGAAGTTCAGAGCTTATGTTGA  
GAGGATCAGGGCCGCTGAACTAGACAAATGTTTAC

>trans\_c\_11210U62866|Volvox carteri f. nagariensis GDP dissociation inhibitor protein GDIv1p (gdiV1) mRNA, complete cds

AGAGGAACAAAGGGTTTGCCATTCTAATTTGCCACTTTGATTCAAGTCCAATCCACCCAACACCTTTGCCGAA  
TTCCAATTTCCGATTTCTGGGGCTTTCAAAGAA

>trans\_c\_11211XM\_002873895|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat family protein, mRNA

GAGGTCAGTGATCAAGTCGAAATTCTCAATTCTACTTTTTTCATGGAAGGAAGCCGATCGAGCTGCTGCTAAGC  
GAGCTACTCATGAAGAACGGCTCGAACGATTCTTG

>trans\_c\_11212NM\_120361|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein (AT5G02830) mRNA, complete cds

GGACATGAGGAAATCAGGGTTCAAATCCAATGATCATTATCTCAAAGAGTTGATTGCGGAGTGGTGTGAAGG  
AGTTCTACAGAATAACAATCAGCAGCAAGTTGAGAC

>trans\_c\_11213Novel Gene

CAATTCGAATTGGAATAAATGATGCTTTGATTGTCTTGAATTATCCTATCAATCAATCGCTCCTATTTGCATC  
TTTCCTGTGAAAATTCAATCTATTTTCGCTATG

>trans\_c\_11214GQ909663|Boechera stricta ecotype CO23 BstBS0006 gene, partial sequence

TACAGAGCGACAGGGGCCGAACCGGGTCGTGGGTCCGGGTCCCAGGTGGATCCGGTTCGAAGGGCGATTG  
TATACCGAACCTATACTTACGAAGTAGTTTAACTTA

>trans\_c\_11215XM\_002884559|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AATTCTACTCAGAGATCAGAGGAATTAGGATTGTGTGTTGTTGATGAAGAGGACAACGAGACTCTACTTCTC  
ACCGTATTAGTTCAGATGACATTACAGAAAGCAA

>trans\_c\_11216X14609|Cucumis sativus mRNA for NAPH-dependent hydroxypyruvate reductase (EC  
1.1.1.29)

AATGGCGAAACCAGTTCAAATCGAAGTATGGAATCCTAATGGAAAGTACAGAGTTGTGAGCACTAAGCCTAT  
GCCTGGAACCTCGCTGGATCAATCTCTTGATATGGAC

>trans\_c\_11217EF379384|Actinidia chinensis VTC2-like protein mRNA, complete cds

GAGCAGATTGCTGTCCTCTGTCTACCTCCTAGGGAGAGCTCGATCCTTTGTGGCAAGCATTCGAGAACACGTG  
GGATCAAGAGCACATGTCCATATTCAATAGGGCTG

>trans\_c\_11218AM260507|Platanus acerifolia partial mRNA for oligouridylate binding protein (ouBP  
gene)

TGAAGATGGTAAAGAAACTGTTAGTAGTGATGCCCCGAGAAACAATCCTCAGTACACTACTGTTTATGTTGGC  
AATCTTGCTCCGGAGGCCACACAGGTTGATCAAGT

>trans\_c\_11219Novel Gene

GGTATGTTGGGATGTCGTCCTGCTGATACTCCTATTGAATTCAACTGTAACTAGGAAACTCTGATGATCAAGT  
TCCAGTTGATAAAGAACAAATATCAACGCCTTGTA

>trans\_c\_11220AJ276422|Cicer arietinum mRNA for 25.7 kDa protein

AAGACTTACTTGAGCTGTTGCAGGATCTTCAAGTTGATTTTCCAGGTACGAACATCCTGCTGTATTGACAGTT  
GAAGCTCAGGCAAAGAGAAAACCTTTAAAAAAA

>trans\_c\_11221FM994275|Phaseolus vulgaris partial comparative anchor tagged sequence  
candidate Leg714, variety BAT93 x Jalo EEP558

AATTGGTGATGGGCTGAGACCTGGTTCAATTTATGATGCCAACGACACTGCTCAATTTGCAGAGCTCCTAACTC  
AGGGCGAACTGACTCGTAGAGCATGGGAAGGGAG

>trans\_c\_11222XM\_001695044|Chlamydomonas reinhardtii ERD4-related membrane protein  
(ERM5) mRNA, complete cds

ATACAGACCCTATACAACAGCATGAGCACCAGGAGCAGTCTAAAGCCAAAACCTGCAGGAGCTGTAATGGGAT  
TACTTCTTGGTATCTTGTTGTCAGTGCTTCTACTTT

>trans\_c\_11223NM\_121356|Arabidopsis thaliana KEG (KEEP ON GOING); protein binding / protein kinase/ ubiquitin-protein ligase (KEG) mRNA, complete cds

AATCAGGATGATGATGGTGACAATGCCTTCCATTTAGCAGCAGATGCAGCAAAGTTCATACGTGAATGCCTTG  
AATGCATTTTATTGATATTAATATATCCGGGTGCT

>trans\_c\_11224NM\_001068799|Oryza sativa Japonica Group Os08g0520000 (Os08g0520000)  
mRNA, complete cds

AAGAATTCTCTAAATCGCATAGAGATGCTTCTGGTTGGAGCTCTTTCAGGTTTCACTGCAAGCACAATCAGTTT  
TCCATTGGAGGTGGCTAGAAAACGACTGATGGTA

>trans\_c\_11225XM\_002884915|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

CGTGGAGCCATCACCTGTGAAAGTTACTGTAACAAAAGCTATTGCAGAGTTTGAAGGACTCATGCTGATACT  
TGGAACATTCAGAAAGATTCACCCGACAGGACCGT

>trans\_c\_11226CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

GAAGAGAAGGAAGAGATCTTCGTAAAGGTTTGGGGGCGTGAATCGCCCTCCGACCCAAGCGGGCCCGTGG  
AAGTAGCGGAGCGCGGAAGGTCCCCTTTGTAGACCA

>trans\_c\_11227NM\_122402|Arabidopsis thaliana zinc finger (B-box type) family protein  
(AT5G24930) mRNA, complete cds

CAGTGTGTCATCCTCTTCGATCGAGGTCGGAGTGGTGCCAGACGGGAACGCGATGACAGATGTATCAAATCC  
GTACACGAAACCTTCGACGGAATCGTCTGTTCAACC

>trans\_c\_11228AY021168|Oryza sativa microsatellite MRG3493 containing (TA)X20, genomic  
sequence

TATAATGTACTTCGCAAAGATACATATTGTTTTAGTTGATCATTTAATGAAAGACTGTAAGGTAATGTACTTGT  
GTTGTGCCCCGGGTACGCGGTCTCTCGCAGGTTCC

>trans\_c\_11229Novel Gene

CGAAACACATACTCAAATTGCTGAGGTTTCTTCAGTCTCCTCTTTGAAGTTAGTTTTGGTAGTAGCTCTCGTATC  
CGTTATACTTGGTATATATCTGGGGAAAAGGTA

>trans\_c\_11230S94466|polyubiquitin [maize, Genomic, 3439 nt]

CGAAAGCATGCCTCGGATGGTTTACATTCAACACAACCTGCTTCCAGGGATTGAATAGAGCATCTACTGGAG  
AATGGTTACATAGAAGATCTGAATACGGGACTGCC

>trans\_c\_11231Novel Gene

ACCGGGGAATTCTCCCTTCTATCTCGCCCTTCAAAGACGAAATAACTCGACTCCAAATGATAAGGATCAAAGA  
CTGATCTCAGAATTTTCAAGCTCATTCCTTATTCT

>trans\_c\_11232XM\_002890824|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phototropic-responsive NPH3  
family protein, mRNA

TCTGCACTAGTGGACTGCCTAGTGATATTATTGTTGAAGTTGGAGAGATGTCATTCCATCTACACAAGTTCCTCTGCTATCGAGAAGTGGGGTTATGGAGGTGGAAC

>trans\_c\_11233FJ797563|Gossypium hirsutum chloroplast chlorophyll A-B binding protein (CBP1) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

AAGCATTTGAATTGATTCATGCAAGATGGGCTATGCTTGGAGCTGCTGGTTTCATCATCCCTGAGGCCTTCAACAAATTCGGCGCCCCAGTATTAAATCCCGACAAG

>trans\_c\_11234XM\_002864673|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 40S ribosomal protein S19, mRNA

AGGCTCCATGACCCCGACAATATCCGCCCATGGTGGGAAGTTCAACCTTCCGGATCGCTTGAGATGAGCGGCA TAGGCCTTAACAAACTCGTGAGGAGAGACGTCCTT

>trans\_c\_11235NM\_001059375|Oryza sativa Japonica Group Os04g0434300 (Os04g0434300) mRNA, partial cds

TGAGCACTTGAAAGAGATAGCAAAGGTTTTGTCTCATCCATGCGTATACTCCTTTTTGCATGTACCAGTTCAATCCGGAAGCGATGCAATCTTTTGCTTCATACCCCC

>trans\_c\_11236EF468483|Medicago truncatula MYB transcription factor MYB49 mRNA, complete cds

GAACCAGAACCTGCCATGATACCAGTTGCTGTAGAACCTGACGAATCTCCCCGTCATGCCAAGGAAGACGCTCTGGTTAGAAAACCGGCTACTTCACGCGGCCGAAGA

>trans\_c\_11237XM\_002302240|Populus trichocarpa sulfate/bicarbonate/oxalate exchanger and transporter sat-1, mRNA

CAAGATCCTGTTGCTGATCCTGTTGCTTATAGACGCCTTGTTTTCACTGTCACCTTTGTTTGCTGGGATTTTCCAA GCTTCATTTGGACTCCCAGATAACCCAAAAGAA

>trans\_c\_11238CP001576|Micromonas sp. RCC299 chromosome 10, complete sequence

ATATCGCCATGAATCTAGGAACTTTTGCTTGCGCCACGCTGCCCAACTCGTACGTTAAGGTCAGCGGTGCCTA GAGCCGCGCAGGATTATAGTCACGGCTATTAGCCC

>trans\_c\_11239XM\_002884667|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mRNA capping enzyme family protein, mRNA

CAGCTATGGACGATGCTTATCCATGGTAATTAGCATCATATATCTCGTTCCATCAGCTTCCATGTGGCATAATA ATAGCGTTGCCTTAGCAGTTGAAGATTGTCTCT

>trans\_c\_11240AL161577|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 73

CCGCAACAAAGTGATGGTAACGATGATTTTCTGTACCGCCTTCACAATATAATCCGCTTGATGAGCCTAGTCC TCTTGTTTACAACCAGAAGGAGATTTCCTGAAC

>trans\_c\_11241AY338256|Pyrus pyrifolia synptobrevin-related protein mRNA, partial cds



ACGGCTCCTGCTAATAGCCTTAACAAGGAATTTGGGTCAAAATTGAAGGAACATATGCAGTACTGTGTTGATC  
ATCCTGAAGAGACTCTGTTCGCCACTAAGTGTCCA

>trans\_c\_11242EU686383|Solanum palustre BEL30 protein mRNA, partial cds

CTAAGGGTGAAATATCTCAATACAGCATGTCTACTATTGCAAGAACTATGCCCAATTCAAAGTACCTCAAGGC  
AGCTCAACTTGACGAACTACTTCTTGTTAATGTCA

>trans\_c\_11243XM\_002891078|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AK-HSDH I, mRNA

AGACGTCTCAGTGGA AAAATCCATTGAAAATGTTCAACTTCCCAAGGGTGATGTTTGGTCCGTCCATAAATTTG  
GTGGTACCTGTGTGGTGCTAGACAGTTTGGTTGT

>trans\_c\_11244CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

CACATTTCACTTCCACATCCCCTAATTTACAAACCCTAATTCCTCTTCCCCCTCTTCCATGGCGGACTCCGACAA  
CGACTCCGGCGGTGGTTACCAGAAATCCCCAT

>trans\_c\_11245AY104014|Zea mays PCO103489 mRNA sequence

CGACAAGCAGTCCTGATGTTCTCCAGTTGGTTATCAGAGCCCTCATGCCAGTGGATTATCTATATCAAATCAG  
AGTTCTGTGGGATCAGTTCTTCCCAATTCGGGGG

>trans\_c\_11246AB204872|Phaseolus vulgaris Pvphot1a mRNA for phototropin, complete cds

CAAGGAAGTTATTGGAAGAAATTGTCGATTTTTACAAGGTGCAGATACAGACCCAGAAGATGTGGCTAAGAT  
CAGAGAAGCTTTACAAGCTGGGACAAGTTACTGTGG

>trans\_c\_11247EU385270|Hoplophyllum spinosum NADH dehydrogenase subunit D (ndhD) gene,  
partial cds; chloroplast

TAGAGCAACGCGTCGCGCACGCTCACACGTCTCGAGCTGCTTCTAACAACCTATGCGTTTTGTTATCATTTCGA  
ATTAGACGATCCATTAATAACCGGTCGTCTCCTA

>trans\_c\_11248AY286332|Lolium multiflorum beta 1,3 glucan synthase (GSL1) mRNA, complete cds

CTGCATATTTTCATATAGTCATCTCTTGTAATACGCTCCCACTCGTCCTGTGAATCTCGTCTCTCAACAGCAA  
TATCCTTAGCTAGAAATATCTTGCTGGCTAGAA

>trans\_c\_11249XM\_002874859|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase family protein, mRNA

TGCTTTTCGTTGCCTCAGGAGGAGGAGCGAGTGAATAGGATTCATATTGAGATCGGGAAGGATCATAGGATTT  
CGTTTCCTGAGCGCCTTGGTCGGTCTTCTCCTCGC

>trans\_c\_11250AB063191|Cucumis melo CmEIL1 mRNA for EIN3-like protein, complete cds

AGGGAACCTCGTATGAGACCCATGAGTAAAGAGCAAAGCAAGGTTAAGGAAGGGATCGATATTGTGAAGCA  
ACGACAGTCTCAAGACCAGGCTAGGAGGAAGAAGATG

>trans\_c\_11251DQ455171|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BC31M14\_101 sequence

AGCTTATCCCCACAGTCTCACTGCCACGCTCTCACTTCCCGGCATTGGAGTTTGGCTGACATTGCTAAGATG  
ATAGTCCCGCTCAACCAACCAGTAGCTCTACCTC

>trans\_c\_11252AM233396|Rhyssolobium dumosum ITS1, specimen voucher Bruyns 3948 (BOL)

GCGCGATGTGACTACATAAGTTGCTCAGATATCGGAACGCCGACACGGGTAATCTTTGAAATTCATCGTGAT  
GGGGATAGATCATTGCAATTGTTGGTCTTCAACGA

>trans\_c\_11253Novel Gene

GTGTGGTTTTCTCCTCTGTAGAAATGGGCCTAGATTTGGGCTTCGGTGTTGGGCTTGGGCTTTGGTTACT  
TGTTTGGGCCTTGGGGCCTTAACGCGGGGTTTC

>trans\_c\_11254Novel Gene

CCTGAAACCGTTGCTTCGTCCACGGAAACCTCGCCCCTCAAGAAGCATCGGGCTTTGGAGAAGGCTCACTCCG  
ACTTCTAGGACGAGTTAGGCACTGCCCCGTTTTCTC

>trans\_c\_11255EF598847|Arabidopsis thaliana isolate CS931 transport inhibitor response 1 (TIR1)  
gene, partial cds

CATATACGTCATTGGTATCTCTCAATATTGCTTGTTGGGGTCTGAGGTGAGTGTATCAGCACTGGAGCGTCTA  
GTGGACAGGTGTCCAACTTAAGAGTGTCACTACT

>trans\_c\_11256AF530589|Petunia integrifolia subsp. inflata S3 self-incompatibility locus-linked  
pollen 3.15 protein (S3-3.15) mRNA, complete cds

GGATGGATCCAGAACAAACGTTTATTCGAGTTCAGGAACGGTTTTCCAGATGCTGACTCCTAAAGTCAGAGC  
CACTCTGGAGTATATGAATCTCTGTATAGCCATTA

>trans\_c\_11257XM\_002298396|Populus trichocarpa cellulose synthase, mRNA

TGAAAGGTTTGATGGGTCGTCAAAACAGAACACCCACCATCGTCGTCGTGGTTCGATCCTACTTGCTTCTATC  
TTCTCGTTGTTATGGGTACTCATGAGGCAGAATG

>trans\_c\_11258Novel Gene

TCGACTTTGACTGATTCATCAAATACCAAATCCTCTAGTTTTAATCATAAAGTGTCTACTGAGTCATATAATCAG  
AAAATTAAAGAAAATTCCTCAAAGTCTGACTAG

>trans\_c\_11259XM\_002872744|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata S-locus lectin protein kinase family  
protein, mRNA

GATTCTATCAATGTTAAATCCCTCCCCAACTTTTACTTGATATATTCTCTGCAAAAGGATGGAGTGTTACATCAT  
TTAAAGATGTTGAAGTTAATGGAGGATGGGTTC

>trans\_c\_11260AJ520103|Daucus carota mRNA for 65kD microtubule associated protein (map65-1  
gene)

CCTCAGAAGAAAGAAGTTTATTTGACCATGTCACGTGTAATATATCAGCATCAGTAGATGAAGTGACTGTCCC  
AGGGGCTCTTGCTCTTGATTTGCGGTCTACACTCA

>trans\_c\_11261AY579887|Citrus unshiu AML1 mRNA, complete cds

AACAAAATCTAGTTCCATTCCCCCTCCACTGCCAAATAGGTCATACTCTTCCAAATCCTCTAGTTGACTGGGCAA  
TCCACTTAAGTCAAAATCATCCATTAAACCGCT

>trans\_c\_11262NM\_116866|Arabidopsis thaliana ATCSLC12 (CELLULOSE-SYNTHASE LIKE C12);  
cellulose synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATCSLC12) mRNA, complete cds

TGGTTAAACTCTACTACAGTTCTTAGCCAATGCTTGTATCATATTGTTTCATCATTCAAAGCTTGGATCGTTTAGT  
CTTGTGTTTGGGTTGTTTCTGGATCCGTTTCAA

>trans\_c\_11263Novel Gene

AGTGCCGTTATTTTGGGAAGGTTATTGATTTTGTGGATGGCATATTATTAGACAGACCAGATTCCTGTAATCCC  
GTTTTGCTAAATTGCTTGTATAAATGCAAAGCCC

>trans\_c\_11264XM\_002880636|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ein3-binding F box protein 1 (EBF1),  
mRNA

AAAAGCTGCAAGGTCGCTAGAATGCTTGCAATTGGAAGAGTGCCACAGGATCACTCAGTTTGGATTCTTTGGT  
GTCGTTTTGAAGTGTGACACAACAACTTTTAGAA

>trans\_c\_11265XM\_002882025|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol 3-and 4-kinase  
family protein, mRNA

TGTGCTTATTCCAATCGATCATGGATACTGCTTGCCAACAAGTTTTGAAGATTGTACATTTGACTGGCTCTATTG  
GCCACAATCCCAGCAACCATATGATGCTGAGAC

>trans\_c\_11266FM242179|Nymphaea petersiana partial matR gene for maturase R, isolate NY-058

TTTCCCCCTTCGTCTTACCTTGCCGCCTTCCTTAACAAGCCCTCGAGCCTCCTTTGCGCCGCCTTCCTCATAGAA  
GGAACCGGGTTGACCCCTCAAAGGCTTACTCT

>trans\_c\_11267Novel Gene

TATTCACCACACGCACCTCTCAAATAACCGCTGGCCTGCCGGCTGTCCAAGCGGAGAGATTTTTATACTTAGT  
TTCTTTCTCTGCTATCTGGCCCGAGGAAACCTTT

>trans\_c\_11268NM\_123697|Arabidopsis thaliana COP1-interacting protein-related (AT5G43310)  
mRNA, complete cds

CTAAAGATCAGATTCTAAAGGGGGTTACTCCATTACTCTTCGCCCAGTTTCAGGATCAAACGCTTCCTGGTTC  
ACTAAGGGAACCTTCAGAGATTCTGTGAGATTG

>trans\_c\_11269AY103564|Zea mays PCO151364 mRNA sequence

AGAAGAACAATGTGGCCCTTGACATTGTTGATTTTGGTGAAGAAGATGATGGCAAACCTGAGAACTGGAAA  
GTCTTCTGGCAGCTGTGAATAGTAATGACACCAAGTG

>trans\_c\_11270NM\_001051956|Oryza sativa Japonica Group Os01g0952600 (Os01g0952600)  
mRNA, complete cds

GCAACGCCCTTCTCTGATGTATCGGCGTTTTCTCTCTCTCCGAGGTATGGAGATCTATGGGCGTTCTCTCTCTGA  
GGTTTGAAATCTTATGAAAGACGCGTACCTGT

>trans\_c\_11271NM\_001070128|Oryza sativa Japonica Group Os09g0503400 (Os09g0503400)  
mRNA, complete cds

TGGGACAAACAATTTCTAGTTGAGTCATTATCTGATTCCACCATTACATGGCTTACTACACCATAGCACATTTG  
TTGCAGAATGGGGACTTGTATGGATCGGGTGAC

>trans\_c\_11272AF314925|Phaseolus vulgaris NADH glutamate synthase precursor, mRNA, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

AAAACCTGGAAGGAATTTTGCTGCTGGTATGAGTGGAGGTATTGCTTATGTTCTTGACATGGATGGTAAATTTG  
AATCCCGATGCATAGATCTCGAACACCTAGAATA

>trans\_c\_11273AB476298|Oryza sativa Japonica Group NYC3 mRNA for alpha/beta hydrolase-fold  
family protein, complete cds

TGAGGCTCCATATTATGAAATTAGCCCTGCTGGCCACTGCCCTCATGATGAAGTCCCTGAGGTTGTAACTTTT  
TACTACGAGGGTGGATAAGAAACATGGAGACAGA

>trans\_c\_11274CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

AGACAAGAGCAAGAAGTCCAGGTCCAGGATCAAAAGGACCCACTAGTCCAACATCGCCTCTCAACCCACGTTT  
CTGTGGCATGAGTCTCGAGTCTCCTACAACCTATA

>trans\_c\_11275EU639451|Lemna minor fructose-bisphosphate aldolase mRNA, partial cds

AAGGAGAACGTTGAGAAAGCTCAAGCAGCCTTCTTGAGAGGTGCAAGGCTAACTCTGATGCCACTCTTGGC  
AAGTACGGCGGTGGCAGTGGCGGCGGGATAATTCGG

>trans\_c\_11276NM\_123604|Arabidopsis thaliana metalloendopeptidase (AT5G42390) mRNA,  
complete cds

CCTAATCCCAGTGCATTTGGTGCGATGGCTAGTTTTCTTGTTCCCAAGATCTCAGTAGGACTAGGTGGCAGTTT  
ATCAAATGAGAGATCAAATTCAGTAGATCAATCC

>trans\_c\_11277AF142596|Nicotiana tabacum LRR receptor-like protein kinase mRNA, complete cds

GGAAGAAGCGACATGGCAGTAGAGTGCAGAGTCCAAATACTGTGGTGGTACATCCTAGTCATTCTGGAGACC  
AAACGGATGTGAACTAATGTTAACACTCCCGATTCTG

>trans\_c\_11278GQ227682|Bruguiera gymnorhiza glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase  
(GAPDH) mRNA, complete cds

CTTTCCTGAGGTGACTTAGGAGCTAGGCAGTTGGTAGTGCAAGAAGCATTGCTGATGATGGGCTCGTCAGGG  
CTGTAAGCATCAGCATTAAACCCCAACAACGTAGTT

>trans\_c\_11279FJ755461|Carica papaya thiazole biosynthetic enzyme mRNA, partial cds

TCCCGGGGGCCAACTTCGGGGCGATGATGATATCAGGGCAGAAGGCGGCACACTTGGCACTAAAGTCATTG  
GGAGAGGCGAACAGCATTGTCCCACGAGAAAGAACT

>trans\_c\_11280Novel Gene

CCCTAGGTGGCGTGTGGAACAAGAAGCAATTCGTACATTGCATAGGTTGTTGAATACAATAATTTTCATCATTTTC  
CATCTTCTTCGGTTGATCCTCCCTCAATTACACT

>trans\_c\_11281AB041352|Nicotiana tabacum cig3 mRNA, complete cds

GGGCTGTGTTGATCCAGAATGCACATCTTGCAGTCTTTGAGTTGATGGGCTCTATTCTAGATAGATGTTCCCAG  
TTGCGTGATCCTTTGTCAAGGGGGGGGAGTTTCA

>trans\_c\_11282NM\_001061956|Oryza sativa Japonica Group Os05g0386900 (Os05g0386900)  
mRNA, complete cds

TAGAACCAATTCAGATAGAGGCGGAGTAGGAGTTGAAATTGATAAGACATATTCACGAGCTATATACTCCGG  
AGGAGGTCGTCTTGACCCCGTAGCTAGGAGCAAAGA

>trans\_c\_11283NM\_001071266|Oryza sativa Japonica Group Os10g0451900 (Os10g0451900)  
mRNA, complete cds

CTTCTAGTCCGACTTCTTTCTCACTACGCTTGCGAAGCTGGCCTCGGTGGACTGTGTGTCTGCGCTCCGGAAAT  
ACAGAAAAAATAAATTCCACGATCGAACTACCA

>trans\_c\_11284AB071370|Pisum sativum mRNA for PsAPY2, complete cds

GGAGCGACTCCCCGGAACCTCCATAACTCCAAAAATATGCACAACCGCAGAACCAAATGCCAAAGAGATGA  
TTTTGATTAGAGCATAGCAGTTAGGAGCGCAAATGA

>trans\_c\_11285AY307037|Hyacinthus orientalis cultivar Delft Blue glyceraldehyde 3-phosphate  
dehydrogenase-like mRNA, partial sequence

AGTGCTGCCTGCTTTGAATGGAAAACCTACCGGGATGGCTTCCGTGTCCCTACAGTTGATGTTTCAGTTGTTG  
ATCTAACAGTGAGGTTGGAGAAGCCAGCGTCGTA

>trans\_c\_11286EU024127|Populus tremula x Populus alba alpha-1,2-fucosyltransferase (FUT6)  
mRNA, complete cds

CCGGCGCGAAGCGGAGCGACTCAAATCAAAGACGTGGGGACTTGTCTTCTTATATTATAGGCTTTCCCGA  
GTCCGACTATCCACTGAACTGCTATCCAGCAGCCC

>trans\_c\_11287AB190368|Pyrus pyrifolia PpGAL7 mRNA for beta-D-galactosidase, complete cds

TTGCTGTCATAGAAGGTTATCTCTGTCCATTAATCCATGCTTGGCCCTTGCCCATGCTTCTCAAGTCCAAAGCTA  
ATGGCTCGTTCCTCCTGGAGCATTGAACTAG

>trans\_c\_11288GQ381175|Physopsis lachnostachya internal transcribed spacer 1, partial sequence;  
5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

TCGATTTTTCGAGACCCACCTTCTATTAATAACTTTGGGAATAGCTACCTCCTGCTAGCACGAGAGCCGAGATA  
TCCGTTGCCGAGAGTCGTTGTTAGTTGTGCCGTT

>trans\_c\_11289NM\_201706|Arabidopsis thaliana cytochrome c biogenesis protein-related  
(AT2G07771) mRNA, complete cds

TGTCAAAGACCAGAAGCTATGCGCAAATTCTCATTGGATCTTGGTTGTTCTTAACAGCGATGGCTATTTATTTA  
AGTCTTTGGGTAGCACCACTAGATCTTCAACAAA

>trans\_c\_11290AB503686|Lotus japonicus LYS5 mRNA for LysM type receptor kinase, complete cds

GGGAGTGGATTACTTGGAAATGTGTGGGATCGTGAGTTAGGGTTCGTGTTCAAAATCTTGCCTTGTGTTTAA  
GTGTATGACGATTTGGTGCTGCCCCGATCCTGTTA

>trans\_c\_11291AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

AACCGAGTTATTCAGTAGAGCAATTATGATCTGGAAGTTGATCCGGGGCAAGTGTTCCGATCTATTATGACAT  
AGCCATGAGGCGCTCAACGGACCTTTTAAATCTAA

>trans\_c\_11292CT009588|Triticum turgidum

TCGGATCTGGAATTGCTCTCATCAATGCAAGAACTGCAGCTTGATCTTGTGGAGACACAACCTTTGCTTCCAT  
ACTTTCTGTTAATGGTAATGACTTTGACTCCCCCT

>trans\_c\_11293GQ997144|Dillenia indica voucher FLAS:M.J. Moore 340 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

CAACATGCCAAGACAAATAGCGATGAGAACAGTGATGTTATTACCGACTATAATTATCTAACAGTTCTAGTAC  
CGTTGATATGACCAGAATCTGCGACCCGCGCGGTT

>trans\_c\_11294CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

GGTGGATCAGTTGGTCTGTCTCCGTGATTACGGGTGCGTCAACTATCTTCCAGGGGGGCAGGCGGGAGGGGC  
GGTACCGATCTGGGGACAACCAAACCTTGTCGGAGAC

>trans\_c\_11295XM\_002873079|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata IQ-domain 12 (IQD12), mRNA

GAAGGTCACCTATGCTAAACTTGAATCAGAGAAAGCACCGAGACAGCGCGAAGTTTCAGGTGATTCTTTCCT  
TGTGACAGATAGGAATTCAGGTAATGAAGGGAGAA

>trans\_c\_11296NM\_001124903|Arabidopsis thaliana cytosol aminopeptidase (AT2G24200) mRNA,  
complete cds

AGGGGCACTGGCAGTGGAGGCTTCAAAGATTGCATCAACTTACAGCGATGTTCTTTCTGCAACCATTTTAAAT  
GAAGAGCAATGCAAAGGGGCCAGGCGCAAAGCTTCG

>trans\_c\_11297Novel Gene

TTAGCTTCTGAATCAGACAATCTATACTCAGAGACACTGAAGGAAGGAAAAGTTTCCAGTTTTGGACTCATTG  
ATCTGAACTTGAGTTTAAAGTGATGCCGAAGAATCT

>trans\_c\_11298AF043539|Spinacia oleracea ClpC protease (clpC) mRNA, chloroplast gene encoding chloroplast protein, complete cds

GAAGGAAGAGTCCTTCTTCAAAAGGATCAGGTAATTCAAAACGGGCTGTTAAATGATGTCTAGTGACATTC  
ACCTTGATGAGGATGAGAAGCTTTGCTGGACTTA

>trans\_c\_11299AY103778|Zea mays PCO063180 mRNA sequence

CCGATAACTTTCTCTATGTTGTGCGAAGGAATGCAATTTGACAGAGGGTATATCTCTCCATACTTTGTCACTGAT  
AGTGAGACCCGTTAGTGTTCCGCGTCCCCAGTGT

>trans\_c\_11300AF119040|Lycopersicon esculentum haplotype Northern Lights Hcr9 gene cluster,  
complete sequence

AGAGAATAGGAGAGGTAGCCTATAGACTCAAGCGATCAGCTCGGTTCAAACACACCCCGTATTCTATGTGAT  
TGACTGAGATTAGGCCAGACCGAAACTGCCTTTAA

>trans\_c\_11301Novel Gene

AGAGGGACGACACCTACTTGAATCAGACCTTCTTTGTTTTCCAGCAAAATTCAAATCTCACACTCCATTGTTGTT  
TTTGGGATCTGCAGGTTTTAGCTGAGCGTCAG

>trans\_c\_11302Novel Gene

AATGCAACTTCTAAAGGTATTCAGGAGGCCTTTGGCTCTGAACTCTCAACTAAGCAAGAAAACACACAGCAAC  
TGACTGATGGAGATGGAATTCTGAATTTTATTTTG

>trans\_c\_11303Novel Gene

GGAGAGATTCTTCATCGATCTAGTGGCCGGCGAATCACTGATCAAAGAGCGAGCTGCCGCCAGGTTGAATGA  
TTATTTGGTGGGATCCACAGATACGACACGACATGA

>trans\_c\_11304NM\_179754|Arabidopsis thaliana plectin-related (AT2G26770) mRNA, complete cds

CAAGAGAAGCAGTTCAGAGAGTGGAAGAAGCCCTACAAGAACATGAACGAATGTCTCGTGCAGCTGGGAAG  
CAGGACCTAGAGGAACTAATGAAGGAGGTTCTTCTCC

>trans\_c\_11305CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

TTAGATGTTTACGGATCCCCGAAAATTCCTGGTGATTCCGGCGGATGCCGCCTCGCGGTTAGCACCGGTCCCC  
TTGAGGCGATCGCCATTTCATTTATCCCACCAG

>trans\_c\_11306XM\_002873712|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata AT5g16110, mRNA

TGAAGGACCCTGTTGTCTGCCCCAAGCCCAGGCGACTTGCGATTCTTGCTAACAATCACATTAAACAGCCCTTG  
AGATGGCACCAAACCTGAGGTTTGTGATTCAAAAG

>trans\_c\_11307EU580727|Citrullus colocynthis respiratory burst oxidase-like protein mRNA,  
complete cds

CAACATGGCTCTAATTTTACTCCCTGTTTGTGTAACACCATCACATGGCTTCGTAACAAAACCAAACCTGGGCG  
TCATCGTACCAAAGCTACTGTTAGACTTAAAGGT

>trans\_c\_11308FJ463618|Pisum sativum MLO1 (MLO1) mRNA, complete cds

AGGGTTTTCTGTCTAAATGGAAGGCCTGGGAGGATGAAACCAAGACAATTGAATACCAGTACTATAATGAT  
CCAGCAAGATTTAGCGGGTAACTCTCGCAGCATGGG

>trans\_c\_11309NM\_001074286|Oryza sativa Japonica Group Os11g0308800 (Os11g0308800)  
mRNA, partial cds

TGTAGAAGATGTTGGCCTAGAGGAATGTCAGAACAACATTTATTGCAGAAATCAGTTCAAGATAGTTCAGCAG  
CAGGATTCTCATCAGAACTTCTAACAAAGTGCAAGG

>trans\_c\_11310XM\_003084170|Ostreococcus tauri COG1168: Bifunctional PLP-dependent enzyme  
with beta-cystathionase and maltose regulon repressor activities (ISS) (Ot18g01870) mRNA, partial  
cds

TTCTTCCATATTCGAAGAAGTGGGGACTTCATACGGCTCAAGTATTGGTAGAAGATGGCTATGTTTCAGTTGTA  
TATTTTCACAGGTGGATCATATGTGGCACGGTTCT

>trans\_c\_11311FJ402912|Glycine tomentella retrotransposon gtd1-136a20-re-1, complete  
sequence

CCTGCTCTAAATCTGATTCCCAGACTGAGAGATCACATACTGCTAGGTCTATCCAGACGAGTGGCCCTGCATT  
GGCAACTAATGATGGAAGAAATCTTGACTCAAGC

>trans\_c\_11312Novel Gene

ATTCGGATCTTGGCTCGGCAATCTGCTTTTCACTACGATTTCCGAAGGCAACTTGGAGCAAAAGCGCATTGAT  
TAGAATTTATAACCATCCATAGGACCCTTCGATT

>trans\_c\_11313AF369888|Pisum sativum UOS1 mRNA, complete cds

CTGTCATTGTTGGACCAAAGGAAGGAGACACTCCAGAAAGAGCAAAGTATAGTCAAGGAATCAAGTTCTTTG  
AACCTGAGATCAAAGGCGATTACCAAGTGCCACACC

>trans\_c\_11314AF314925|Phaseolus vulgaris NADH glutamate synthase precursor, mRNA, complete  
cds; nuclear gene for chloroplast product

AATGGGATGGCAGCAGAAAGGTTTTGTGTTTCGTAATTCAGGGGCAAAGGCTGTTGTGGAAGGTGTTGGTGAT  
CATGGATGTGATACGCGTCAGTCACCGGCACATGTC

>trans\_c\_11315AB531023|Malus x domestica MdVOZ1 mRNA, complete cds

GAAAGCAGAGGTCAGTGCCTGATTACAGTGGACGCGGTTGGCATGAGTCAAGAAAGCAAGTGATGAATGAG  
TTTGGAGGGCTGAAAAGATCTTATTACATGGATCCTC

>trans\_c\_11316AF354177|Sonneratia hainanensis tRNA-Leu gene and trnL-trnF spacer, partial  
sequence; chloroplast gene for chloroplast product

CCGCGATTTGGTAAGCATCTGCTCAAGTCTTCTGGGTCGGGGTTTCGTACGTAGTGAGATGATCTTTCTATCAT  
AGCTCGCCAGGGACTGATTTCTAGTGACCTTTCC



>trans\_c\_11317AY008899|Liriodendron tulipifera ORF350 gene, partial sequence; chloroplast gene for chloroplast product

AAGAGGACGATTCCATCGTTTATAGTCGAAAAGGATAGTCACAGAGAACCCCCACCCAACTCCTCTCTCGGGG  
GAGGGGGGCGAGCGGGAGCCAGGATTTAAAAGAAA

>trans\_c\_11318DQ887086|Arachis hypogaea ubiquitin-conjugating enzyme mRNA, complete cds

GATCAAAATTTAAGGTCTCCCATGGCAGATCTATGAAGCAATACCAAGTCCCAAAGGACCATCTAGGGCCG  
AAATGCTTGCCAAGAACAACCTTCACAACGCCATT

>trans\_c\_11319BT008431|Arabidopsis thaliana At4g17330 gene, complete cds

GTAGGAATACTCAAAGTGAAGAAGACTAATCCATTAAAAACAAGTCGGACTGGTCTGCAGAAGGGGACAT  
CAAGAGTGATTATTGGTGTTAACCTTAAGTTCCTCC

>trans\_c\_11320AY198340|Hordeum vulgare subsp. vulgare phosphoethanolamine  
cytidyltransferase mRNA, complete cds

AAGGGGGCCTGGACCAAATGCTCGTATTGTGTACATTGATGGGGCTTTCGATCTTTTCATGCAGGGCATATT  
GAGATTCTCGGAGCCATCGAACTAGGTTTTCAGG

>trans\_c\_11321NM\_001125596|Arabidopsis thaliana CIP7 (COP1-INTERACTING PROTEIN 7);  
transcription activator (CIP7) mRNA, complete cds

AACAGCAGGTAGAGGAAGCAGTTGGGACATTGGAGAAAAGACATAAATCAACTGGTCGACACCAAAGAAA  
CAGAATGGCTATGGAACTCCGATGGCTTAAATGATT

>trans\_c\_11322FN598592|Coccoloba uvifera chloroplast petB gene (partial), petB-petD IGS and  
petD gene (partial), isolate AC310

TGAAGTGGTTTTTGGTTGTGTATCTGTGGGCTGATCTTGTGTTCCATTGTTGGAATTGTGCAGCTCTGTTTCAG  
ATAATCAGGACGGCAACAGGTGGAGTCCGTTTCG

>trans\_c\_11323DQ444282|Gossypium hirsutum suppressor of K<sup>+</sup> transport growth defect-like  
protein (SKD1) mRNA, complete cds

CATTTCTTCTCGGACCTTGTCTCGAAATGGATGGGTGAAAGTGAGAAGCTAGTTTCAAATCTTTTCAAATGG  
CTCGTGATAGTGCTCCGCTCGTGCTCCCGCCAG

>trans\_c\_11324GU086226|Solanum lycopersicum ISPH protein mRNA, complete cds

CTGTAACGGAGTGATCGAACGGCGGAGGAATTCTCCGCAAGGCTGCATCCGTACGAGTGGAAGACGATA  
AAGTTGCATAGAGAACGCCATGGAAGATAGTAAATTG

>trans\_c\_11325NM\_001055079|Oryza sativa Japonica Group Os02g0820600 (Os02g0820600)  
mRNA, complete cds

AATGATGAAGAAGTGGAGACCAAGAGTTTTCTCAAAGCACAAAGAGGTGCCCTGATTAGCTGTTTAGAAATT  
GCTGCTCATCGGTATAAAATTCATGGTGTCAAAC

>trans\_c\_11326AC174607|Solanum lycopersicum, complete sequence

CTGTAAGACACAGTGGCAAGAGTGTAGCTTAGGTTTTTGTATGTACCGATAGCGAGAAAAATATCGGCACAA  
GACCGTCCATAAGCACACCCATGTGCAAGTGCCGT

>trans\_c\_11327NM\_124377|Arabidopsis thaliana AFB5 (Auxin F-Box protein 5); ubiquitin-protein  
ligase (AFB5) mRNA, complete cds

TCTGCTTGCTGACTCTTTTCCCGGCTTTAAGGAGCTTGTGTTGTTTTGCTGTGAAGGATTGGCACCAGTGGA  
TTGCTGTTGTTGCCGCCCTCGTACTTGCGTAAGA

>trans\_c\_11328NM\_120359|Arabidopsis thaliana PRR7 (PSEUDO-RESPONSE REGULATOR 7);  
transcription regulator/ two-component response regulator (PRR7) mRNA, complete cds

TACCTGGTTGATCCTGCCATTGAGTCTTCGTTTTTCTTGATGGAAGCATTCTCTCTCACGGAGGCGATTATGGA  
AAGATATTTTCAACATCACGGCGAGCAGGTATCA

>trans\_c\_11329AF006080|Solanum berthaultii glucose acyltransferase (pldp15) mRNA, complete  
cds

AGTGGAGATCATGACATGAGAGTTCCGACCATAGACACTAAAGAATGGGTGCGATTCTCTAAGCCGCTGGCC  
ACCAGCAGCCAAGAGTTCCAACCCGCCCCGAGCATA

>trans\_c\_11330AY109340|Zea mays CL5298\_2 mRNA sequence

AGTCTTAGTGTTGAGTAGAGTCGTTTCCAATCATCCAAATCATCGAGCTAGGAGGAAGCAAGTCAAGGGG  
GTTTTTGGCTTTGGGCTTTGGTGCCTCTTCCTCAGC

>trans\_c\_11331AY109631|Zea mays CL5026\_1 mRNA sequence

AGAGCATAACAACCTCCAACCTTTGAACTTGATCCAGGTAATTTTTCAAGTGACGAGGCTTATGCTAGAGCCCTAC  
AAGATGCTGAAGACAGAGAAAATGGCTGCCAGATA

>trans\_c\_11332DQ226922|Boechera divaricarpa isolate SLW-E-D07 mRNA sequence

AAGGAAGCGTGAATCCATGCAGAAGGTTGTTATTGGAGTATTAGCTTTTGAAATTGCCAGCTTGATGTCCAAG  
TTGGTTCATTTGTGGCAGTCTTTGAGCGATAAGCA

>trans\_c\_11333X62653|P.crispum BPF-1 mRNA

AAAATTTAGTGGATTTCCAATTTTCTCCCTTTTGAATCTGTTCCAGAGCTACCAACGTCTTCTACAAGAAAAAC  
ACCCAGAAACCTGATTCTGTTCAGAGAAAGCC

>trans\_c\_11334AY062682|Arabidopsis thaliana Unknown protein (T21E2.11) mRNA, complete cds

CTATACAGAACCCCGTACCTAGTGGACATGGTGAACGAGAAGATCGGCACAGTTCTAAACTTGACTCTATAA  
AGAGCGGAAACGCATGGAGAGGAATGGACATGCTC

>trans\_c\_11335GQ998300|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 clp protease  
proteolytic subunit protein (clpP) gene, complete cds; chloroplast

GATTGTAGGCTGATTTATCGCGGAGGCCTCTTTCAGCGTCACAACTTTTTTGTTTTACGACGGAAGACTCTT  
AACAAATATTTCTGTTATGAAAGACTACGAATCCC

>trans\_c\_11336XM\_002879281|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata invertase/pectin methylesterase  
inhibitor family protein, mRNA

AAATTCTAATTCATTTCCAATTTTTATTTCTGACAATGGATGATTTCTCCAATCATTTACGCAAATACCATTATT  
ATCTTAATGATCTTTTGGTGCATCAATACTCT

>trans\_c\_11337CP001327|Micromonas sp. RCC299 chromosome 6, complete sequence

ACTCTGAAGAATTATCGCATCGCGCTCGCGGAGAGGTACGGGGGCACGCCAGGCGCTCCAGACCACTAGGA  
CAGGAGCCGCCCGATGCGTCGCGAAAGCGTCATACC

>trans\_c\_11338AC215397|Solanum lycopersicum Tomato chromosome 2, C02HBa0155C10,  
complete sequence

CCATCTGGAAATTTAGTTCAATAGGAAGCGAGGACCCACTTTCTACGGAGAAGAAAAGTAAATAATGCCAAG  
AAAAAAGTGCTCATAACATATTTGAATAGTCTTAT

>trans\_c\_11339Novel Gene

GGCTTTACCTTTTTCTAAAAGTATGTATGTGCGTAGTTCAAGTTTTCGCCCTATTTACCAAGGACTATTTGGGG  
TAGGGGTATTTCGGTAGGTAGGTAGGGGTTTCG

>trans\_c\_11340DQ629497|Sphaerocarpos donnellii small subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

ACGGCACGAGCTGACGACAGCCATGCACCACCTGTGTCCGCGTTCCCGAAGGCACCAAAGCATCTCTGCTAAG  
TTCTCTGGATGTCAACACAGAACACGACAGCCAT

>trans\_c\_11341AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete  
sequence

TCAGCACTTGGTGCCCTTCAATATTTAAACCTTAGCAGATGTCACATAACTGATGACGGAAGCGAGCATAAAA  
GACCCGAACCCCGAACTTTTATAACTTGACAAAA

>trans\_c\_11342DQ989631|Chlamydomonas incerta gamete-specific protein minus 1 (GSM1) gene,  
complete cds; and short-chain alcohol dehydrogenase (SDR) gene, partial cds

GAGGGGTGCGTGCGGGGGGAAGTGTGGGCGAGACCGGGTTGGACGGAGCCATGGGAATGCGGCAGCGGGT  
GGGCTTGTCCAGGACCAGTCCGCTCGCTCGGCAATCG

>trans\_c\_11343Novel Gene

AAAACGATAACTCCGTCTCCGTCGTCTTCTTCGTCTTCTTCGTCTTCATCGTTTCTGAAGTTTTCTTTGAAGTATC  
CATTGCATAGAGACACCTCAGCCCCACCAAGG

>trans\_c\_11344AY059846|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At5g42090; MJC20.20) mRNA,  
complete cds

TTGATGAAACTGGGCCATTTGAACAAGAATGGGTTACATGGAAACAGGTGTTCTTGCTTGTTGATGTGATTG  
TTGCTGTGCTGTTTTGTTCCCCATTGGGGTGTCAA

>trans\_c\_11345AY445582|Nicotiana tabacum S-adenosyl-L-methionine synthetase (SAMS) mRNA,  
complete cds

CCAAAAGCTCATTGGTGGCCCCCATGGTGATGCAGGTCTTACCGGACGCAAGATCATCATCGACACCTACGGT  
GGTTGGGGAGCTCACGGTGACAACATCCCTCTTTC

>trans\_c\_11346XM\_002309246|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

GCGGTCGGACGGGAAACTCGGGCGGCAAGTCGGTGAGTTGTAAATGGGAGCGAGTTAAGCACTCAAGAGC  
AATTTCTTCGGGCAAACCAGGGATCAATTCATCTGC

>trans\_c\_11347AJ429666|Apodytes dimidiata chloroplast atpE gene (partial), tRNA-Val gene  
(partial) and tRNA-Met gene

TAAGCAATACCAATCAAACAAATCAACAAATAGATTATAGAATATTCATCTTGACAAGAAGCCGCTCGTGCA  
GCGGAGCGCACGCTGTGGAAATCGCGATCTGACC

>trans\_c\_11348Novel Gene

TTAACTCTTCAATGTCTTCTGATGAGAGTTTGGGTAATCTTGAATTTGATTCATAGCTAGAGTCTAGATTCCAT  
CATAAGGAACTTCTAGATCAGAAGTTGGACTT

>trans\_c\_11349AY057490|Arabidopsis thaliana At2g32240/F22D22.1 mRNA, complete cds

TCGTTGTCGTGTTTCATCCCTTTCAATGTTTGCAGCGGATAACTTGGTCTGGAGATCACTAAAATTAGATTCATA  
TGAGGCTAATTCCTGAGTAAGTCTCAAATTTG

>trans\_c\_11350NM\_001050078|Oryza sativa Japonica Group Os01g0610300 (Os01g0610300)  
mRNA, complete cds

TTCATAATTTTCAAGAGCAGAATTACAACTGCCACCTTCTCATCACTCAATTCAGATGGGGGAAGAAAATCTT  
GCATGACATCAGAATGGAACCTTTTGACACTTG

>trans\_c\_11351AY573572|Populus tremula x Populus tremuloides cellulose synthase (CesA2)  
mRNA, complete cds

ACCCATGCGCGCTGTGCGCTACTGAAGTCAGCCACAGGCCATAGGCATCTTCAACTGGATGAAGAATTCTGTA  
ATGGAAAAACAGGCCAAGAATAACAAGACGAAGC

>trans\_c\_11352M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
1-2

ACGGAAGGTCGGCTAATATATAGGATGAAAGTAGGGAAATCCAAGTATATATATACAAGGTCAGACCCTCTA  
TGTAATTGTCGAGCGCTTATGATCGCGATATGCTC

>trans\_c\_11353NM\_180601|Arabidopsis thaliana CER1 (ECERIFERUM 1); octadecanal decarbonylase  
(CER1) mRNA, complete cds

TTCACTTCTTTCTATGTACTTGTACCTCATTCTATGGCCACACTTTTGTCTATGAAAGAAACAGTTTCAAGGCA  
CTCACAATGTGAGACCTTTGAAAGAACCTGCC

>trans\_c\_11354NM\_001125653|Arabidopsis thaliana aconitate hydratase, cytoplasmic / citrate  
hydro-lyase / aconitase (ACO) (AT4G35830) mRNA, complete cds

CATACTCCATTTCGGATACTTCTCGAGTCTGCCATTCGAAACTGCGATGAGTTTGCGGTTAAGGCTAAGGATGTT  
GAGAAGATTATTGGCCAAAGAGGGTGACCTCCC

>trans\_c\_11355AY107120|Zea mays PC0064514 mRNA sequence

TAACTACACCACTGGAGGAACAATCCACATTGTCGTGAATAATCAAGTCGCTTTTACTACCGATCCTAGGGCTG  
GAAGATCATCACAAATTGCACTGATGTGCGTG

>trans\_c\_11356XM\_002945724|Volvox carteri f. nagariensis pathogenesis-related protein 1-like  
protein, mRNA

ATTGGAACATACTTTTATCTTTCTCCAACCCCCAAAACCACCAGATCGATTACGCATTTGTCGTTCTTTTCCA  
AGAGAAAATCTGTTCTTACGCAAAGCGTTCT

>trans\_c\_11357Novel Gene

GATTGTCTGGCCATCTGAACTTAGAATGGTGCTGAGCTGGTTGGCTTCGCAGATTAGAGACAAATCTCTCAA  
ATAAGGTTAATGCACTACTAAGAGGCACACTGAC

>trans\_c\_11358Novel Gene

ACAAGGCTGAATCTGCAAAGAGTGCTGTTAATGGTGAATCATCAAAGCTTCTGTTTCCAGCAATGCTGAAGT  
GGTGGATGGGGTTACAGATGATGCCCTTAGAGTG

>trans\_c\_11359BT015028|Arabidopsis thaliana At1g43190 mRNA, complete cds

AATCGTTTTAACCGAAATGCTGCAAAGAACTACCGCTACTGCTGCTCCCCGACAAAGATGATCCACATATCATC  
TCTATCTCAGGAAGCAGTCAGGAGGAGAGATCA

>trans\_c\_11360Novel Gene

TCACGCTAAAAAAGAAAAGTTAAAAAAGAAGGCCAAAGGAAAAGGAGCTTTGCTACTGTTACTGTCGCTG  
TGCTCTCATAACCCTTCCGTCCCCCGCCGGCACG

>trans\_c\_11361GQ998800|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C ATP synthase CF0 subunit I protein (atpF) gene, complete cds; chloroplast

GGAATTTCTACCCCTAGCCGCTCGGCGGGCTGTCCGGTGTCTTCCCTCAAAAAAATCAATACACCAAGCAC  
TACGCTTAGATTTAGCTAATCAGACGCGAGCCC

>trans\_c\_11362DQ460165|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP fragment H-N\_BC4M32-362 sequence

CCATCCTATGAACATGATGATAATTGGTTTTCGCAACTCCAAGATTATACAGACCTTCCTCAACAATCGATTCC  
TACCAACAACATAAATCTTCACACACTCTTTA

>trans\_c\_11363AY646239|Brassica rapa subsp. pekinensis 9-cis-epoxycarotenoid dioxygenase mRNA, complete cds

ATACTTACCTGGACGGGGTCAATGGGCGATGTTCTTAGGTACCGGATCCAACCACTGGAGGTAACGTGTAT  
GGCCTCCCCACGGGCGCTATATGAGGCAATGCTG

>trans\_c\_11364EU096497|Cucumis sativus cultivar Jinyan 4 stachyose synthetase variant 2 mRNA, complete cds, alternatively spliced

AATACCAATTACCAACCTTCTTTTGTCTTCTCATTACAAGCGTAGTTTTTCTTCGAGCTTACCACTTGGCTTTG  
ACATTGTCCCACATACCAGTGTCCCAACAAC

>trans\_c\_11365EF463630|Cyathea dregei ATP synthase alpha chain (atpA) gene, partial sequence; chloroplast

CCAAAGAAGATGGATTCTTTTTCAAATTTTATGAAGAGTATTCTCCAGTTCGAGAGTAGTAACTGCCGTCG  
CCCCCGGGGAGAATCGTCTTCGGGGCGTGGTTA

>trans\_c\_11366XM\_002875284|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata gapa, mRNA

AAATCCTCTAATAAGTTTTCCCGTGGCCTCAAACGCTCTATTCTCCAGACTATTCCCTCGTTTTCTTCTACGGTT  
CTAGAGTTAGGACTGAGAGAGATCTCCTCTC

>trans\_c\_11367XM\_003074496|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g04800) mRNA, partial cds

AATTGGGCCAAATTGGGCGATTAATTTACCAGACAAGTTATGGACCCTATCAAATGAACAAGATAGATTCCTT  
ATTAAGTCTTCTGGTTTATCTCGATGAAATGGGA

>trans\_c\_11368AM158910|Plantago major partial mRNA for monodehydroascorbate reductase (mdar1 gene)

AATGTTGATGTCTCTGGTCCTTCCCTTGTTCTAGAAAAACCCATGTATCGATGGCATGCGACTGCTGGGGTTAT  
CCTTGCTGGATCCGTAGCTGCATTGCTTATTG

>trans\_c\_11369Novel Gene

GCTCTGAACCTATATCTGAAACTACGAGTACCTTCGCTCTGAACCTATATTGAAAACGTAGAGCTGCTTCGCTC  
TGAACCTATATTTCAAACCTACGAGTACCTTCGC

>trans\_c\_11370BT029026|Arabidopsis thaliana At3g02750 mRNA, complete cds

TTGCATCGTCACCGAGATCCTCTGCAGCTCGTGTCTTGTGGATTGAGCTACTCGAGCATGGAGATTGAAGTAT  
CCCACTGGGTTCACCTACTAACACGACATCAG

>trans\_c\_11371EU126544|Arabidopsis thaliana SMG7-like protein (SMG7) mRNA, complete cds

TTATTCCTGCTCTTGAATTGTAGTATATTGGTTCCTGATCAATCTTGACTACACTTGCTAAAGCCTTCCCCGCAG  
CCAGAATCCTTTTAATGCGAGCAACCTTCTCT

>trans\_c\_11372AB514506|*Apium graveolens* NMCP1 mRNA for nuclear matrix constituent protein 1, complete cds

TCTTCTCTTCTCTCTGAGATCTTTCTCTTTCTGTTTCACCATCCTGTCATTCTCATTTGCCGAGAGCTCTCGCTGA  
TTAAGAATTGTTTGACCCTTGGCAAGTCTC

>trans\_c\_11373AB012630|*Adiantum capillus-veneris* CRY2 gene for blue-light photoreceptor, complete cds

AAGGCTGAGTGGGAAGAGAAGGAGCTTCACCTGGTTGATGCCGTGAAGAAATCAGAAGAAGAGAACTCGTC  
CTTGGAAGGAAATAGATAGGCTTGTAAAGCCCATC

>trans\_c\_11374AF124585|*Leucothoe fontanesiana* ribulose biphosphate large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

GAGGTAAATCGAGGAGTGCCTATTAAACGGCGGGAGACGAGACCTCTCACGCTTTCTGCCGCGAGCTTGT  
ACACATGCTTCTAGAGCTACTCGGTTAGCTACGGC

>trans\_c\_11375CP001330|*Micromonas* sp. RCC299 chromosome 11, complete sequence

CCTTAGGGGGGAAAAGAAGAGGACGCTCCTCCTAACAAGCTTTCTCCACCTTCACCCGACTTTTCCTACCCTAA  
GGACAACCCTCGCCCTCGTGCTACCCCTCCTTC

>trans\_c\_11376EF612920|*Dioon mejiae* internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GGGATGGTGCAAGGGCAGAGGAGTGTCCCTCCGTCACAGACATCGGTATTCCAGAATCGTACTCTGCTATGA  
GAGAACATGGTCCTGAAATCACCGCCCCATCGCCG

>trans\_c\_11377X61206|*N. plumbaginifolia* NelF-4A3 mRNA for nicotiana eukaryotic translation initiation factor 4A

CAAGCGCACGCATGTATTGGTGGCAAAAGTGTGGGTGAAGATATCAGAAAGCTTGAGTTTGGAGTTCAGGTT  
GTGTCGGGAACCTCTGGAAGAGTCTGTGACATGAT

>trans\_c\_11378XM\_001699904|*Chlamydomonas reinhardtii* strain CC-503 cw92 mt+

CAGAACACCAGGCAGCTCTTCAGAGCAATAATCAAGAAGTATCTTAGACCGATACAACAACAAATAAGCTCC  
TTCAAACAGAGTAAAGCCGTGTGAGGCAAATTCG

>trans\_c\_11379AF172282|*Oryza sativa* adh1-adh2 region

AGAGGCAACCCCATTTGTTTTGATTATCTAATTTTGCTTATTTTCTTAAAGCACGCAAAACCTAGGGAGATTG  
TGTTTCTGGGCATTGATGGGTCGGTGGAATGA

>trans\_c\_11380AF347696|*Zea mays* NADPH-dependent reductase (a1) gene, a1-mum2 allele, complete cds

GTTGGCAACTTTGCCGAGGTGATTTATGACTTGTGGATTGCCTCTTTCCCTGTTGCCTATATTGTGTATGGTCA  
AAGTTGGGATGGGAGTCTGACTGAAAGAACCG

>trans\_c\_11381XM\_003074651|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot01g06340) mRNA, complete cds

CCTTCGCCCTCCAGGTCTCTCGGAACCTTGCCCGTGA CTCCAAATACGGCAGAGGAAACCTCCCTTCAGAATCGAATCCGAAGATTGGAAGAGGACGATTCAATT

>trans\_c\_11382NM\_001058365|Oryza sativa Japonica Group Os03g0837100 (Os03g0837100) mRNA, complete cds

GTTGGGTGGATTTATGGGTCTGTTACAGAGGATATTTTAACAGGTTTCAAGATGCATTGCCATGGATGGAGATCAGTTTATTGCATTCTAAAAGGGCAGCATTCAA

>trans\_c\_11383AF370583|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At2g12400; F24C20.8) mRNA, complete cds

GGCATTTCACCACTGGTCGGTTGACTCCAAGTCTCTACAACCAAATGACAGCAGCAGCAAACGTGAGTTATGGTTTGTATCGCTATGGTCCAACCTCCAACCTAC

>trans\_c\_11384Novel Gene

AATGAGGGTCTTCCCCTCTCGGTAAAGCTGCTGATAACCGCCCCGTGGGTGATCTCGACTGATTCAATTCATAACCTTCAGTAGTCGAGCTACTTTCTTTGTTCTGT

>trans\_c\_11385Novel Gene

CTAACCTACAAGATTCTCTCGCCGAATCTACCTTTTGCCGGTGGTTAACATGAAGAAGGGTCATTGTGGCGACATAGTGGTCAGGCACCGTCAAACCACCAAGTTT

>trans\_c\_11386NM\_001066804|Oryza sativa Japonica Group Os07g0615400 (Os07g0615400) mRNA, complete cds

ATGTCCCAGATGCTCTGCTGGTTGCGAAAAGAAACAAAACCAAATCCCCTGGACCGCCAGTCTTCTGATCCCACATAACCCTCGCATCTGAGCAACTGGAGTAAGC

>trans\_c\_11387XM\_002870040|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATP5S, mRNA

TCATGGATTCTGCAAGCAACATTTATGGCCACTGTTTCACTATATGCTTCCTCTGTCCCCGGATCTTGGTGGCCGATTTGATCGGTCCCTTTCCGTTTCGATAGAAA

>trans\_c\_11388XM\_002314779|Populus trichocarpa white-brown-complex ABC transporter family, mRNA

GAGGGTGCTCTTGTCTATGCTGGTCCTGCTCACGAGGAACCTTTGGAATACTTCTCTAAGCCCCAACGCGGCCATTTAAGTTGCACAGGCTTGATCAGAAAAGAAAA

>trans\_c\_11389NM\_001123987|Arabidopsis thaliana TOR (TARGET OF RAPAMYCIN); 1-phosphatidylinositol-3-kinase/ protein binding (TOR) mRNA, complete cds

AATGGTCACTTGGGGAGGATATTAACGCAAGGAAGCATTTGCTAGGTTGCAAGTTTTATCTAGGGAGCTTTCATCTTCACCTATTATTCAACCTGCCAAGCATATT



>trans\_c\_11390

CAAGGGTTTATGTACAAAGAACAGCGTTTGGGAATACCCAATATAGGCTTCTGTACCTTCCCTACAAAAATAC  
AGTCGTACAGAAGCCCAAGGGGCGGGAATTGTT

>trans\_c\_11391XM\_002876960|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

GGAAGAGATCCTGGAATAATTCCTCGAAATGCACACCCACCTGAACCTGAACCCTATGAAGGTAGTGTGATA  
CTGGATCTGCTCAAACCTCCTCAGCCGTCTAACCC

>trans\_c\_11392EF568780|Prunus persica pectase lyase mRNA, complete cds

CGATTCCAATTGGGAGAAAAATCGTCAGAGATTAGCTGATTGTGGGATCGGTTTCGGCAAAAACGCCATCGG  
CGGTCGAGACGGCAAAATCTACGTCGTTACTGGCG

>trans\_c\_11393AY081175|Nicotiana tabacum osmotic stress-activated protein kinase (OSAK) mRNA,  
complete cds

TTGCTTCCGCTTGGATGCCGAAGCGATCGATGGTTTATAATCTCTCTTGCTACATTCTCATCTATCTTATGTCCA  
CGTTCTATATACTTCATGGCGACAAGCTCTTT

>trans\_c\_11394AY437554|Lagenaria siceraria TCN1029 TrnR-AtpA spacer, partial sequence;  
chloroplast

TAGGGCCTGATTGGCCTGGCCTCACCCCGCCTGAAGATAAGATATTAGTAGAAAGGATATTCAAATTCCAAA  
TATTAAGATATTTATGATATTCTAAATATATTAT

>trans\_c\_11395NM\_001112332|Zea mays adenosine 5'-phosphosulfate reductase-like4 (aprl4),  
mRNA gb|AY739299.1| Zea mays adenosine 5'-phosphosulfate reductase 4 (APRL4) mRNA,  
complete cds

GTGACTAAAAATGCCTACGCCCTGCGACTGAGAACAGGGCCTCCAAGTTTGGAAAAAACACCCCCCTCAGCCT  
GCAAAGAATGAGGATCACATGGTTAGGATAGTCG

>trans\_c\_11396Novel Gene

GACAGTCTTAGGTAGATAAGTATAGACTGCTGATCTATACCAGTCGTACTTTCATTTCCACGTGTGTGCGGGC  
AGCGAGGATGGCTACAGGCAACTTAACAGTCAC

>trans\_c\_11397NM\_001084863|Arabidopsis thaliana RTFL14 (ROTUNDIFOLIA LIKE 14) (RTFL14)  
mRNA, complete cds

TCATGGCAGCAATGTTCAAAGCAAATCAGAGAGCAAAGGGCAAGACTTTATATCATCTGGAGATGTGCTGTG  
ATGCTTCTATGTTGGCATGATTAACTACTCTCAT

>trans\_c\_11398AL161580|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 76

AATCAAAACACCACACCAAAGCGCCAAAAGAAGAGTCAGCTAATCATCACAGAATCAAATCGTCCACCATGTT  
CATAAAGAAGCTCCATCAAACCCACAAACCCTTC

>trans\_c\_11399XM\_002867291|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata signal recognition particle receptor alpha subunit family protein, mRNA

CAAGCAAATCATCCACATACAATAAATGAAGAATCCTTTGATACACCGCAACAAATACAAGGCCAAGCTCATT  
GTGGAAGGTCCACTTGAGGGTGTAAAGCAGCACCT

>trans\_c\_11400NM\_001072824|Oryza sativa Japonica Group Os12g0175700 (Os12g0175700)  
mRNA, complete cds

GACTACCCATTCTTTGAGCATCAGATTCATTGGTTCTCCATTTTCAATTCATTCATGATGGTCATTTTCCTCACTG  
GTTTGGTCTCTATCTATACTACTCCTGAGA

>trans\_c\_11401EU146299|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare AOS gene,  
complete cds

TGAGTCTCGGCCTCCCAAGGTCGTCGAGGAGCTTCTCCTCCGCACGGTCCGGCTCCCCCGGCGTTGATTAA  
AGCCGATTACCGTCGGTGCATGTCAGGGAAAATG

>trans\_c\_11402AY109905|Zea mays CL6208\_1 mRNA sequence

GAATCCCTCTCTTTCCGCCAATTGATTTGAGATATTGCGCCTTGTCGCAAACTGAGCGGACCGTAGCTTACGC  
CGTCTGCGACTTCAAGACAGAGTATTACTTCCC

>trans\_c\_11403CP001326|Micromonas sp. RCC299 chromosome 5, complete sequence

TATTTGAAATTTGTTTGGTTAAATTCGAGCCAAAAAGCCACATTGCTGCACGGATGAAATTTGAGCATTAGAAC  
TTCGTGAAAAACGGGCGTTGTAATTTTGCCCGG

>trans\_c\_11404AY149966|Arabidopsis thaliana At2g17220/T23A1.8 mRNA, complete cds

TTGGTGAAGGAGGTTTTGGCAAGGTTTACAAAGGTTGGCTTGAGGAGAAGGGCCTTGGAAGGAAGGGAAAT  
TCGATGGTTATTGCGGTAAAAAAGTTGAGGCTCAGT

>trans\_c\_11405NM\_126236|Arabidopsis thaliana ATMAP70-3 (microtubule-associated proteins 70-  
3); microtubule binding (ATMAP70-3) mRNA, complete cds

CACACTGAGAGGTGATTTCTTCTGGATAAATAGCCATTTGAAGTCTGTCTAGTCAGTTCTGCTCCTCCAAGAGA  
TTGACGTCTGGAAACACCAAGTGCTTATGCCTCT

>trans\_c\_11406BT025276|Arabidopsis thaliana At2g13570 mRNA, complete cds

GACACTGAGCTCCCGATCGCCAACGTCGGCCGGATCATGAAGAAAGCTCTCCCTGGTAACGCCAAGATCTCAA  
AAGACGCCAAAGAAACCGTTCAAGAATGCGTCTC

>trans\_c\_11407AJ538775|Nicotiana tabacum cDNA-AFLP-fragment BT1-M21-024

AGCCGAACTGATCTTAAAATGTTTGAATCGGACCCAAGGAAACGGCCCTCCATGGAAGAAGTTTTGGTCATT  
CTAGAAAAAGTTAGTTCTTTTAAAGACAGGTTTG

>trans\_c\_11408Novel Gene

TACAAGAGCTAAATTGTCAAATACTAACATTCATGGACTAAATTGTTGCTTCAATATATTCTAACTATGAGAAG  
AGTGAGCAATATACCAATGAACCGTGGCTCCTT

>trans\_c\_11409AY221086|*Solanum tuberosum* cellulose synthase (StCesA1) mRNA, partial cds

CCAGCATTTCATTGCTTCCACACTCATGGAAGATGGTGGTGTGCCAGGAGGAGGGACTTCTGCTTCATTGTTGA  
AAGAAGCCATACATGTAATCAGTTGCGGTTATGA

>trans\_c\_11410XM\_002504502|*Micromonas* sp. RCC299 chromosome 9 type II secretory pathway  
family (SRP72) mRNA, complete cds

AAGGAGAGAGAAGACGAAGGCAGAACCTACTATTTGGAATCAGACTCTTAGGAGAAGTCCCATAAGAAGA  
GATACATCAAAATTCAATTCGTAGGGCGGGGCTTGG

>trans\_c\_11411XM\_002319746|*Populus trichocarpa* f-box family protein, mRNA

CCCGCGTAGATTGTGTTCTGGTTTTTTCATGGATGGGAAGTTTTTGTGATCGGTGGAATGTCGAGCTCCACTG  
TTTCATTAACCTGTGGGGAGGAAGAACAGTTGT

>trans\_c\_11412FR727907|*Musa 'Fehi'* ITS1, 5.8S rRNA gene and ITS2, isolate 1027con2

CTTCATCAGAGCATGACGAGGAACTATTCGACGAACCCCGTTCGTCAGGGGAATCCCAGAAACGATTGGGA  
AAAGTTGCCTACTCAAATGACCAGATTCAACCGTG

>trans\_c\_11413NM\_001069221|*Oryza sativa* Japonica Group Os09g0252700 (Os09g0252700)  
mRNA, partial cds

AAGAAGCACTGGCATTTCAGTTAGAGACTTGCTTGTGATGATTTGTTCCCAGAATGATGGTCAAATCGGTC  
TAATGTGATCTCTTTTCTAATTGACAGTGTTAAG

>trans\_c\_11414U09988|*Glycine max* Williams 82 mitochondrion NADH dehydrogenase subunit I  
(nad1) gene, exons D and E, partial cds, and maturase-related protein (mat-r) gene, complete cds

CCATTTTCAAGAAGATCCCGGGCTCGATCTGGTTTAGTATCAAGGTGATTTCTTTCTTTCTATATATATGGG  
TCCGTGCAGCATTTCCACGATATCGAAGACCC

>trans\_c\_11415Novel Gene

TTTGAAATTGAAAGGAGGGAAGGCGAGGGCGAGGTTCTGTTCTCGTTCTTGTGTTGCATAGGATCAGCTATTCC  
CCGAAAATGCTGCTTTTCTTTGGGCCTTTCCTG

>trans\_c\_11416X66728|*H. vulgare* mRNA for sucrose synthase (partial)

AATGTGATTTCTGCCAGTGCAATCCGAGAAGAATGTGAAAACATGCAACATGAGCCATGAAGTACCAT  
TTTATAATCTGGAAGTGTTCTGCTGTGTGTTAC

>trans\_c\_11417GQ258824|*Boea hygrometrica* ACC oxidase (ACO1) mRNA, complete cds

CAAGTTGTCTTCATCTAGGAACAAACATGCCAAGTCCAGGAGACTTGATGACTGTGAAGTCAGTTGTGGGCCA  
AACTCAAGGAGATCTTTTCTTAGAACTACAAAC

>trans\_c\_11418Novel Gene

ATCTTTCCAGTATCTTTGGCTCCATTGATGAGCTGAGAATGATACCCATTTGAACTAATGTGGCAATTGGCAAC  
CATAGAACTAGGGCCAGATATCATGCATCCTTT

>trans\_c\_11419AM711640|Cuscuta reflexa complete chloroplast genome

TCAAATCAAAATTTTTTCACTGAAATTCTTCTCAAAGTATATTTAACACCATCACCGGCAGGAAGTTGTGAGCA  
TTACGTTTCATGCATAACTTCCATACCAAGATTA

>trans\_c\_11420Novel Gene

CAGTCAAACGCGGCGTGTTCTGAATTCTGATCGCTTTTACGCGAGGGGAATTTCAACAAAAGATTATTCGGACG  
CCTTCTGGCAGTCGATAGCGTACAAGTGTTACGA

>trans\_c\_11421XM\_002882584|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L4/L1, mRNA

CAAATCTGCTTTTGAGAAGCTTGATTCTATCTATGGATCTTTTGAGAAGCCTTCAGAGAAGAAGAAGGGTTAT  
GTCCTTCCTAGGTCTAAGATGGTGAAACGACTAA

>trans\_c\_11422GQ998344|Gunnera manicata voucher FLAS:M.J. Moore 325 RNA polymerase beta  
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

AATGCCATTTTGGAGTTTTATCAACAATTTTCTTGTGTAGGCGGAGATCCGGTATTTTCTGAATCCTTATGTAAG  
GAATTACAAAAGAAATTCTTTCAACAGGAGCA

>trans\_c\_11423GU784916|Volvox carteri f. nagariensis male mating type locus, complete sequence

TGAGGATGATGAGGTGGAATGCAAAGACATTCAGGATAAGAAAGTGGAACCTACCTCACCACCACTGCCACC  
GCCGATCTACCAAGCTTACCGATGCGATACGTGGT

>trans\_c\_11424NM\_120025|Arabidopsis thaliana choline transporter-related (AT4G38640) mRNA,  
complete cds

TGCTGTAGTCGATAGTGCAAGACAAGAAGATATTCCTGGGATGTTCAACCTATTTTACGTTGCTGTGTAAATA  
CATTTCTGGCAGCTGTTGATTATCTGAACACTA

>trans\_c\_11425AJ313384|Theobroma cacao mRNA for aspartic proteinase (ap1 gene)

CAAATTTGTGGGTTCCATCATCCAAGTGCTTCTGTGGCTTGCTACTCCATTCCAAGTACAAGTCAAAGCGTT  
CGAGTACTTATAGGGGAGGCAAGCCCAGACGA

>trans\_c\_11426Novel Gene

GAAGTTGATTGTGGCGTAGCAGATATCAATGGACACGGTTCATAAAAATATTTCAACAACCAACATCTTTGCTC  
CTTACCAGCATGCTATTTTCATGTTGTGAAGCCA

>trans\_c\_11427AY826361|Halimeda discoidea voucher H.0207 elongation factor Tu (tufA) gene,  
partial cds; chloroplast

TACGATGTCGGTAATAAGTCCATCTTCCATCAGCAATGTTTCACTTGTTCTATAGCCAACCATTCGGGGAAGA  
CCAATAGTTCAACAAGATTCAGCTTTTCTAGAA

>trans\_c\_11428AJ489978|Oryza sativa z132b snoRNA gene

GAGCCAGAGATCTCTCCGTAGGCCTCAGAGATCTTGGTGGTTAGTGATCGTCATATGGTATTAATCCATCAA  
GAGTAGCAAATATTTATAATCACATCACCGGCCT

>trans\_c\_11429EU931231|Rheum australe esterase/lipase/thioesterase family protein mRNA,  
complete cds

GGAGAGGACTACTAAACACGTGTTGGCCCGCTCTCTCTCGCCTCATTGTATGTTTGGGAGTGTTGGTGTGTGG  
TGCTCTGCTGCATACGGTACCGGGTCGGTTTGTG

>trans\_c\_11430XM\_002869356|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata subtilase family protein, mRNA

GAGGGACTGGAAAGTTCGAAAAGTACAAACGACACACACCAGAGTTTTTGGGCCTTCCAACTGGCGTATGGCC  
AACCGGTGGTGGCTTTTCATCTCCTGGAGAAGAAC

>trans\_c\_11431NM\_001050751|Oryza sativa Japonica Group Os01g0743200 (Os01g0743200)  
mRNA, complete cds

ATGGGTGGCTTCTGACTGAGTAAGTTCTCTAGACCATGAAACCCTTCCTCCATAATCAGCTCCTGGTCCCGAG  
CATCGATATTGTCCATAAAACACCGTCAATTCA

>trans\_c\_11432Novel Gene

CCTCTCAACCGCTGGGGGACAGTAACGGGTCCAGTTAAGAGAATCATCTGCGACATCATCTAAAGCCAATCCT  
GAAAACATGTCAACTGAAATGTCAATGAGATGT

>trans\_c\_11433GQ998381|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 7 protein (ndhH) gene, complete cds; chloroplast

AATTTAGAAAATACGATCTTTTGATCGAGCAAGGTCTCCGGAATGGAATGACTTTGACTATCGATTCATTAGTA  
AAAAACCTTCGCCAACTTTTGAAAACCGCTTTG

>trans\_c\_11434NM\_001055716|Oryza sativa Japonica Group Os03g0183500 (Os03g0183500)  
mRNA, complete cds

GTTGAGACCCACGTAGCGGTGGGATCCCTGGATCTAGTGGCCGGTGAATCACTGATCAAAGAGCCAGCCCCA  
AGAGAGCCTCCTGCTATAGATCACCGGCCGCTTAG

>trans\_c\_11435BT012268|Arabidopsis thaliana At1g64650 gene, complete cds

CGAGCTACCAAAAACCAACAAGGACCGGATCAAACTCCCTCCGCTTCAATGCCTTCAAGAACAATTACCTTC  
TTGTTTACTCTCTCATGATGGCTGGGGACTGGT

>trans\_c\_11436CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

GGCATTGAAGTGGTTGAAGGTTGGTTCGTTCCCCTGTGTAGGGCTCTTGAGAGATGATATCTGGCCTGCCCGT  
TTCAGTGGTTTCTCGTTTAAGGGCAAAGACGAGC

>trans\_c\_11437FJ467934|Carica papaya transgenic cultivar SunUp tetA pseudogene, complete  
sequence

CCTAATCAATAATTATGATTTTACGTATGGACAATTCCTCAATATCTTGTTCAATCGCAACAAAATATTTTCTTTG  
TGCGGCGGTTGCCCATTCCTAAAATACGGGC

>trans\_c\_11438AF367245|Gossypium arboreum ceramide glucosyltransferase mRNA, complete cds

GATGCTTTTGATTCCTTCCTCTCTCTTAGCAATTCGTTTTCTACTCCTCTTGCTCTTTTCATTCAGATCCAGGG  
ATGTATAATATGCCTTGTTCTTGCCTTGG

>trans\_c\_11439NM\_001062226|Oryza sativa Japonica Group Os05g0446900 (Os05g0446900)  
mRNA, complete cds

GGGGAGCATTTTTTTGTAGTAGGTGATGATCCAATTTTCGGTTCCTGGGACGTTACAAGTGCAATACCTTTAAA  
CTGGGCCGATGGGCATCGATGGGCAGCATGTCA

>trans\_c\_11440NM\_001050471|Oryza sativa Japonica Group Os01g0691600 (Os01g0691600)  
mRNA, complete cds

AAGTCTCACTGCAAGCTTGGGCTCACTGCCACACTTGTGAGAGAAGACGAAAGAATTACAGATTTAACTTTC  
TTATTGGTCCTAAGTTGTATGAAGCAAACCTGGTT

>trans\_c\_11441Novel Gene

ATGTAGAGGGACTGGGATAAGAGAGAAATCTCGAGGAGATAAGTAACTAAGGAAGAAGTATAGTTGAAAAA  
TCAAAGGTGATCCGCCCTAGAGGCGCTTATCAACT

>trans\_c\_11442AY372027|Betula schmidtii maturase K (matK) gene, complete cds; chloroplast

ATGTATACATAGGTAAAGCCGTGTGCAATGAAAAATGCAAGCACGGTTTGGGGAGGGATTTTTTTTACTTACC  
TGGTTGATCCTGCCAGTAGTCATATGCTTGTCTC

>trans\_c\_11443NM\_001072407|Oryza sativa Japonica Group Os11g0174000 (Os11g0174000)  
mRNA, complete cds

AGTCTAATACAGAGGACAATCCTATCACGTGAGTCACTATCAATTGGATGTGGAAGAAATGAAGATTCACCCA  
GTTGCAACATAGAAACCATGATCAATAATGCCTG

>trans\_c\_11444HM171281|Triticum aestivum coat protein II (COPII) mRNA, partial cds

TGATTTGCACAATGCTAACCCATATAAAGGCAGGAACCTTAAGAGACTCGGGATATATCATTCTGCCTCCCAAG  
CGATGATGTACAGCATAGAGGTTACGATACTCTC

>trans\_c\_11445U12735|Glycine max aminoalcoholphosphotransferase (AAPT1) mRNA, complete  
cds

GTTCCAGTTATAAACTCTGTGGATAGCTTCCAATAATGTCAGAAGGTGACAAATAATCCCATGCTAAGACTCC  
TCCGACAAGTACCACAAATGGGTAAAGCTGTAT

>trans\_c\_11446Novel Gene

ACTTTGCGTCTGTCTCTTTAGTAGTGTTTTGAGTGCTTTAGGGATGAACAAAGTCCCACATATTCATATCCATCC  
TTTTCACTTTGTCAGCTCTTTCTTTATGTCT

>trans\_c\_11447NM\_001052048|Oryza sativa Japonica Group Os01g0967900 (Os01g0967900)  
mRNA, complete cds

GGCCATGAGACGCATAGCCAGTGACTTAGCTCAAGGATATGTTGGTGAAGGTGCTTTTGAACGTGCTTTTAGG  
CAATCTTTTCTTGTGTCTGCGGACATGGCCCATG

>trans\_c\_11448tpg|BK005021.1||TPA\_inf: Oryza sativa (japonica cultivar-group) WRKY transcription  
factor 18 (WRKY18) gene, complete cds

TTTGGTAAATTTTGTATTAGCCAGGGTTCTACCTTTATTTCTCATTTGATATAACCACCACTCGAGCTATTTTTT  
AATCATTGTATTACATACCCAGACATGGTG

>trans\_c\_11449XM\_002314438|Populus trichocarpa dehydroquinase dehydratase/ shikimate  
dehydrogenase (DHQD4), mRNA

GGATTATGTCGGTGCCATTTCTGCTATTGAGGAAAACTACAAGGTGACTACACTGGCAGCCGTCTATCTGGC  
TCACCTTTATTTGGCAGGCGCGGATGTTGACGGT

>trans\_c\_11450NM\_001186983|Oryza sativa Japonica Group Os04g0390100 (Os04g0390100)  
mRNA, complete cds

TACGACGTCGTCCCAATGGACCCTCATTTTCCCCACCACATGCAAAACGATCAGCCGCAGATGTTTCAGCGATG  
AGAATCCCAACGCTTGGGAATCTGCAATTGTTTC

>trans\_c\_11451NM\_001064856|Oryza sativa Japonica Group Os06g0669400 (Os06g0669400)  
mRNA, partial cds

CATGGAAGGAACAGTAATGACTGATGGGAAGAGCAAAAGCCTTGTGGCATATCATGAAGTTGGGCACGCCAT  
TTGTGGTACTTTACAGAACAAAGTGCAGTTTCACAG

>trans\_c\_11452Novel Gene

CGAATCCTTTCCAAGAGATTGCTACCAAGAAATCACAGTCAAAGAAGCTAAAGCTGGAAAGATCTGGATCTGC  
AATTGAACCATTTAGAGCGCCCCTCCCGTCCCTG

>trans\_c\_11453XM\_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

TGGCAACAACATGAAGCAGTCAGTAGGAAACCCAGCGTGTTTTGTAAGCTCACTCTTGGCAATACTCCACCG  
AGGCAAACGGGAACCAACCTGGTTAACAACCCGA

>trans\_c\_11454NM\_001063452|Oryza sativa Japonica Group Os06g0167000 (Os06g0167000)  
mRNA, complete cds

AGGCAAATTCTTATGTCTTCAGGGTCCACAACATTTACGAAAATTGTCAACAAATGGAATACTGCTCTGATTGG  
TCTCATGACTTACTTCCGTGAGGCAACTGTTCA

>trans\_c\_11455XM\_002892202|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata arginine N-methyltransferase family  
protein, mRNA

TATTTGGTCTGCACAAGCAGGTGCAAGGAAGGTATATGCAGTGGAAGCAACTAAGATGTCGGAACATGCCCC  
TGCACTCGTTAAAGCTAACAACCTTCAGGACACGG

>trans\_c\_11456NM\_001068433|Oryza sativa Japonica Group Os08g0439600 (Os08g0439600)  
mRNA, complete cds

CCTGATCCGTTCCCGACCGCGTTTCCACCCACGCGATGAGGACGTACATTAACAACAAAAGATGATGCGAGA  
TTGTTCCCTTCATATCGTCTTCAGTACATTAACA

>trans\_c\_11457NM\_001068249|Oryza sativa Japonica Group Os08g0387500 (Os08g0387500)  
mRNA, partial cds

CAGAATTCGAAGCATTGTCAAGGCTTGATTTAAGTGCCGCGATGAAGGTTTTCTGGCGAAGCGACTAACATC  
TGAATTTACTCAAGTAACTGCTGAGGTGGAGGAG

>trans\_c\_11458NM\_104789|Arabidopsis thaliana proline-rich family protein (AT1G61080) mRNA,  
complete cds

TATCAGGTGATTTCTGCTTCTGCAGTATTCAACTCTTTTTGCAGAAGATGTGAATTGATGTAGTTTTCAATATCA  
GTAATTGCAGCCAAATTTAGGGGATCCCCAC

>trans\_c\_11459NM\_001063009|Oryza sativa Japonica Group Os05g0588300 (Os05g0588300)  
mRNA, complete cds

ACGGTCTCTTCCGAGCTGATCAGGGAGGGAGAACCGCCCCGTGGGAGTCGAGTTCTCCCTTCACCTTCGGAC  
GGACCCCTTGGGGCGAGACTCGACCACTTAAAAAA

>trans\_c\_11460XM\_002891167|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata acetyl-CoA carboxylase 2, mRNA

AATTTCTATGGCAGCATTGGGTGATAAAATTGGTTCATCATTAATTGCACAGGCAGCAGAAGTACCCACCCTTC  
CATGAGACAACTTTGTACAGGGGCCTTGTTGA

>trans\_c\_11461Novel Gene

ATCAGAAAGTAGAAAACATATCATATCCCATGATCCTCACCTTCATCATATCTAGTTCACTAAAGCTACTACCTA  
TACATTGAGAGTTAGATGGAATTTTCATTTCT

>trans\_c\_11462EU002525|Neurada procumbens RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene,  
partial cds; chloroplast

AGCGCGCGGAAACATACACTCTTATAATAAAAGAGAGAGTTCGAAAACATATTTATTCTGACTCAGAGGGAG  
AAATGCATTGGAGTACCGTGCACATGGTGTACCCC

>trans\_c\_11463Novel Gene

ACTGCCTACTGGTCCTGCTGGTGACATAGCTTCCCCTTAATAACTTTTTTTTACCCACAGCTGAATGGCAAGTC  
CCTGTTCTCTTCTTTGTGGCAATAACTACATG

>trans\_c\_11464NM\_001049329|Oryza sativa Japonica Group Os01g0293000 (Os01g0293000)  
mRNA, complete cds

GGCTGACCACGATCTACTACTCTAAAGTCGCGGTGCTCAAGGTGTCCATGGCCATTTCACTAAGCGACCTGAG  
GAAGCCAACATCAACAGTTGACCAGTGTCACCTC



>trans\_c\_11465AB067643|Pyrus communis PcAb1 mRNA for alpha-Arabinosidase1, complete cds

ACAGGCCGACCACTCTTGTCTTCGCACGTGACCAAGGACTAATATTCGATGGAGTATTTGGACCCCCAGCTTC  
GAATCCTCTGTTGCTCACAAGTTCTGCCCAAATT

>trans\_c\_11466Novel Gene

CTGGTTATAGGATTGTATAGTGTTCGAGTTCTTTGTACTTGACGAACTCATTGCAATGGTGTGACGTCTC  
TGTTCGACCGATCATTTTCTAGCTATAGAGAA

>trans\_c\_11467NM\_001059485|Oryza sativa Japonica Group Os04g0452100 (Os04g0452100)  
mRNA, complete cds

AAGCTGCTGGGATCGAGCTTGGATCAAACCTACCTCTTCCATCGTAGGACTGGATGCAGCTAAAGCTAGGTT  
GGAAGAAGCACTGTCAGAGATGTGGCAACCGAGG

>trans\_c\_11468AF428357|Arabidopsis thaliana At1g74450/F1M20\_13 mRNA, complete cds

TCCGATGGATAGGATGGTTTCGGATTACTTGGAGAGGAGTGTGAAGGCGCTCGATGTTTGTAAATGTGATTAG  
AGATGGGATTGAGCAGTTGAGGCAGTGGCAGAAGT

>trans\_c\_11469NM\_001066455|Oryza sativa Japonica Group Os07g0546100 (Os07g0546100)  
mRNA, complete cds

CAAGGACTTCCATGGCGGCTCTATCCCTACTGATCTCCCTCTCCCCTCCGCTCTGGCCTAACGGTTAGACCTTC  
GGATCGGACTAGTTTCGATCGGAAGCCTAGCC

>trans\_c\_11470NM\_179385|Arabidopsis thaliana ACA1 (AUTO-INHIBITED CA<sup>2+</sup>-ATPASE 1); calcium  
channel/ calcium-transporting ATPase/ calmodulin binding (ACA1) mRNA, complete cds

TAGGGAATGTGGGATTTTAACTGACGATGGTATAGCAATTGAAGGTCCTGAATTCCGGGAGAAGAAGGAGG  
AAGAATTGAGTGTAAATAGTACCGAACTTCAGGTTA

>trans\_c\_11471XM\_001697864|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TCACACCTTTAGCTTTTGACACAAACAATTGGATTTCTCATCTCACTGGGAACACATGGATGCCTTCGAACTTG  
GAGCTAAACACCGTGCTTACCGCGCGGCACCC

>trans\_c\_11472NM\_180361|Arabidopsis thaliana CP29; RNA binding / poly(U) binding (CP29)  
mRNA, complete cds

CGAAATGTCGCCGTCTCATCCGATTACGACCAGGAAGAAGACACTCTTGAGGCCGATGGAGACGACTCCAGC  
TACGCTCCTGACCTCACCAGTGGATGATTCCGCTC

>trans\_c\_11473AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete  
sequence

TATGGGGATGTCTGATGAGGTAAATCTACCAGTCAATGTTCTGCCAGTATCATTTGCTGGTCATGGTCATGCCC  
AAACTTTTAATGCACCAGTACATTTGCCGAAC

>trans\_c\_11474NM\_001061930|Oryza sativa Japonica Group Os05g0380800 (Os05g0380800)  
mRNA, complete cds

GATAACACAGCTATCTATTTAGATCTGATCTTAGATTGTACACCGAATGAGGTTTGTATTCGCTAATATGTATG  
CATTTGTACTATAGACTCCTTTAGTTAATCTTC

>trans\_c\_11475DQ682468|Nicotiana attenuata transketolase (tk) mRNA, partial cds

TGACAACAACCATTGGTTTCGGATCTCCAAACAAAGCCAATTCATACAGTGTGCATGGTAGTGCCCTTGGTGC  
AAACTCCTGGTCTGCTACATCCTGCAACAGGGGG

>trans\_c\_11476AM234918|Tripteris clandestina chloroplast partial rbcL gene for ribulose  
biphosphate carboxylase large subunit, specimen voucher Manning J.C. 2850 (NBG)

TGGGACTAAACAACCCAATGGTTATGCTATTGGCTACGAGTACCTTCTGCTCCGAATCAGGAAGATTTGCAG  
TCGGAATCCCGGGGTAGTACTCCAGGTACTCTG

>trans\_c\_11477Novel Gene

AAGCTCCAAATTCAATTGTCGTCCCTATGATGATTGATTGGAATTATAAAAGTAGTGGACTGAATCTTACTGAT  
GAGAAGTATCAATCCTCAGGGATTGTTGTCACT

>trans\_c\_11478Novel Gene

TGGAGGAATCAGCGAGATGGGAGGTGTTAGACGGATCGGTGGCGAAGGAAATCTCGCCGGAGGATATGGC  
GGTGTCTGAGGAAAAAAGGGAGGACGAAGAAGAGAGA

>trans\_c\_11479DQ431677|Striga asiatica NOX3 mRNA, partial cds

AAGTAATGGTGAATTTGTTTGAATGAAGGTGGCTGTTTATCCTGGAAACGTTCTGGCATTGCACATGTCTAAG  
CCACATGGGTTCAGTACAAGAGTGGGCAATACA

>trans\_c\_11480HM447646|Triticum aestivum coronatine insensitive 2-like protein (COI2) mRNA,  
complete cds

GACCCTGCTTGCTTTAATGCAGCGTAAGGGCGCGGATAGCCGAGCGTTGCACGGGCTCGCGTATGCATTATAC  
GTCTGTGTGATACGGTAGTTTGGTGTGGCACCGT

>trans\_c\_11481NM\_105601|Arabidopsis thaliana appr-1-p processing enzyme family protein  
(AT1G69340) mRNA, complete cds

GTCTTGGCAATCTAGAAGGATTTTGAAGGGTAAGTTTCAAGGATCTGATTGCAGCATGGGTACATATGTGAT  
TTCTGTGCGCACACCCCCAGCTAACAACGCCCGG

>trans\_c\_11482AB501268|Hordeum pusillum PolA1 gene for RNA polymerase I largest subunit,  
partial cds, strain: H2024

AGATGATGAATACTACGATGAAGATGATGTTGCGGATCAAGATGAATGAATGTTGTGAAGATGTGTGTTAAA  
CTTTCAATTGCCAGTGAGACATGGACCCACAAACC

>trans\_c\_11483FM992561|Cylindrocystis crassa chloroplast partial 23S rRNA gene, strain SAG 23.97

GTGAGTCAGGGCCTAAGATCAGGCCGAAAGGCGTAGTCGATGGACAACAGGTAGATATTCCTGTACCACCTC  
ATGATTGTTTGAGCGATGGGGGGACGCAGTAGAGC

>trans\_c\_11484AY058069|Arabidopsis thaliana At2g46080/T3F17.27 mRNA, complete cds

AATGGAGACAGAACATCAGCACCACAAGTTCTAGAATTAAGAATTGTTGTGAATCTTAGACAGCCTTGTAGG  
ATCACTTGATCTTCCAAAGGAATCCTTGAAGTAG

>trans\_c\_11485NM\_001048703|Oryza sativa Japonica Group Os01g0175000 (Os01g0175000)  
mRNA, partial cds

TGGTGGCTTTCCATCCACTGCATGGTTTGATGTAGAAGATCTTTCAGAAAATGGTCCAGATGATTTAGAGGGT  
TTGGATGCTTCAGCCGCATATGTTGCACGCCAC

>trans\_c\_11486NM\_112204|Arabidopsis thaliana 60S ribosomal protein L7 (RPL7D) (AT3G13580)  
mRNA, complete cds

ATGGTGATTTTCTGAAAGTCAACAAAGCAACACTGAATATGCTTCACAGGGTTGAGCCTTACGTGACTTATGG  
TTATCCCAATCTCAAGAGTGTGAAAGAACTCATC

>trans\_c\_11487AB018526|Ipomoea nil mRNA for H<sup>+</sup>/Ca<sup>2+</sup> exchanger 2, complete cds

GATCAACGTGTTACTACCTTTTGGTCCTTTGGCAATTCTGCTACATTACTTAACGGGAAAGCATGGATGGGTCT  
TTTTTTCACCCCGTCCCCTTATACACCCTTGG

>trans\_c\_11488NM\_119049|Arabidopsis thaliana lectin protein kinase family protein (AT4G29050)  
mRNA, complete cds

TTGCGATGATGAAATCTGCGCCAACTGTGATCTGGGTGATCACAACCGTCCGACCATTCCCGACGAAAATCT  
TCGGTGCATCTGAGCTTCGACCGCAACAGCCCTG

>trans\_c\_11489EF517246|Helianthus annuus SF21C16 (SF21C) mRNA, complete cds, alternatively  
spliced

AAGCATGTAGAAAATTACTAGATGAGAGACAGAGCAACAATGTTTTGAGGTTCTCCAAGCATAATTATCTTC  
TGGTCTGTAATGGCTTCCCAAAAAAAGGCTCCGG

>trans\_c\_11490BT029527|Arabidopsis thaliana At5g49710 mRNA, complete cds

AGGGCCCAACTGGTGATCGGGTTCGTGTGAAGAAGAAGACTTTGCAGGCTGTGCTGGAGCAGTGTGAGAGA  
GCTCTTGAATCGCTGAATGATTCCAACGCTGAAGAA

>trans\_c\_11491GQ324995|Triticum urartu DEP1 mRNA, complete cds

CTATTCAATGTTAATGGAGGCAAATTGGTGTATGGAGCATTATGAGAAGATGCAACCTATCCCGTTTACAGCG  
CATAGTAAGTCGCTGCAAAGGATTCTACCAATC

>trans\_c\_11492GU784915|Volvox carteri f. nagariensis female mating type locus, complete  
sequence

AATAAATAAAATAAGGATCAGAGTACTTGTTTTCCCGTTAAATACTGAATCGTTTATTGAACCTCCAAGGATA  
TGACCAACAACACTGTGATGGCAAGTATTCCGAGT

>trans\_c\_11493EU737133|Arabidopsis thaliana isolate 09.Col genomic sequence

AGGAAATTAAGAATGGAAGGCTAGCAATGTTGGCAATTTGGGTTACTTTATACAAGGTCTTGTTACTGGTGT  
TGGACCTTACCAAACGAGGGGTTGACGGGTGAG

>trans\_c\_11494FJ906850|Jatropha curcas ADP ribosylation factor 002 mRNA, complete cds

CAATGACAGAGATCGAGTTGTTGAGGCCAGGGATGAGTTGCACAGGATGTTGAATGAGGATGAGCTGCGAG  
ATGCAGTTCTGCTTGACCCATCGGTAAACACTCGA

>trans\_c\_11495AB468154|Glycine max GmPhyA3 gene for phytochrome A, complete cds, cultivar:  
Harosoy

GTGTGCAGTGATCAGCTCAACAGTTATGATGAAGCTTGACTTACCTGCTTCCCTCATGTATCTTACATCTCCATT  
CATTAGCTTCACTAGTTTTCTACTGATGAGTA

>trans\_c\_11496X65974|N.tabacum mRNA for glutamate-1-semialdehyde aminotransferase

CAGGGTTTACCAGCTTGGCACATACTTCTGAGGATATTCAACATACTATAGCAGCTGCTGAGAAGGTTTTCAA  
GCACCCCCGAACCGATACAAAATAGGGAAAACAG

>trans\_c\_11497NM\_001071058|Oryza sativa Japonica Group Os10g0394200 (Os10g0394200)  
mRNA, partial cds

CGATAGGTCCACGTCGATATCCCATAGTCCAAGGAGCACAAGAAGGCAATGTAGTCATTAGTTGAGATATCAT  
ATAAAAGTCCAGGAGAGAGAGCTTTGTGAGGATC

>trans\_c\_11498AB514506|Apium graveolens NMCP1 mRNA for nuclear matrix constituent protein  
1, complete cds

AGTCTACAGCGGGAAAACACTGGAGGTAAGGTCTGTGTTTGTGCGCATATGAAATAAAGCGATCTCTCTCTG  
CAACAAGTCGTTCTCGCTGATCTTCAACTTATT

>trans\_c\_11499CT029636|Poplar cDNA sequences

GAGACCTTGGATAGGATTTGTTCCGAAGCTCAGAATGCAATTCAGGAGGGTTTCACTACACTTGTTCTTTCTGA  
TAGAGCATTCTCAAGCAAGCGTGTTGCTGTGAG

>trans\_c\_11500AY104920|Zea mays PCO100740 mRNA sequence

AGAAGATTGCCAGTAACTGAATCGGGAAAGTTTCAAGACGATTTCTTGATGGAATATAATGACACAATGTTGA  
TTACGTATCTAGCAATGTCCACTAATTGCTCACT

>trans\_c\_11501NM\_100636|Arabidopsis thaliana PLL5; catalytic/ protein serine/threonine  
phosphatase (PLL5) mRNA, complete cds

CAGGTCGATTAATCATTCGGATGTTCTCAAAGCTCTGTCCCAAGCATTGAAGAAAACAGAGGAGTCTTATTTG  
GATATTGCAGACAAAATGCTTGATGAAAATCCCC

>trans\_c\_11502Novel Gene

GACAGTCTTAGGTAGATAAGTATAGACTGCTGATCTATAACCAGTCGTACTTTCATTTCCCACGTGTGTGCGGGC  
AGCGAGGATGGCTACAGGCAACTTAACAGTCAC

>trans\_c\_11503NM\_102102|Arabidopsis thaliana PATL2 (PATELLIN 2); transporter (PATL2) mRNA,  
complete cds

GGGTGGGATTGTGGGTGGATCGAGTCTGTAGCGGTTGTTCTTTCCTGAAGGATTTGGTAGTTTAAATTGGTCA  
AAGATGGATTTCGAGTCGAGAGATCACGAGACTAC

>trans\_c\_11504NM\_121465|Arabidopsis thaliana ATP binding / ATP-dependent helicase/ helicase/  
nucleic acid binding / protein binding (AT5G14610) mRNA, complete cds

CATAATCCTCCACTCCGGATGGGAAATCATAGTTGATAACAACCTGATGTCTTTAATATCCAATCCTCGAGCT  
GCCACATCAGTAGCTACAAGCACAGGAGTCCTT

>trans\_c\_11505AB476298|Oryza sativa Japonica Group NYC3 mRNA for alpha/beta hydrolase-fold  
family protein, complete cds

AGGACAATGTTGTAAAGATTTGGAATTTTAAAGAGAAGGATCAAAGAAATCTGTGTCTGTTCGATTGTATGG  
ATCCCCTTCTTCAGTTTTGGATCGGATAACCTCT

>trans\_c\_11506FN563087|Prasinococcus capsulatus plastid partial 16S rRNA gene, strain CCMP  
1202

AATTCGAAGCAACGCGAAGAACCTTACCAGGTCTTGACATCCTCTGAACACTCTAGAGATAGAGTTTTCCCTTC  
GGGGACAGAGTGACAGGTGGTGTGCAACCAGGA

>trans\_c\_11507XM\_002883202|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATPAP18/PAP18, mRNA

CAGCTGAAGGCACCTCCTCCAGTTCCCAATTACTTTTTAGTGGCAGGAGATCTGGGTCAAACCTGGATGGA  
CTAAATCAACATTGGAACACATTGCGAGTGTACA

>trans\_c\_11508NM\_179981|Arabidopsis thaliana amino acid transporter family protein  
(AT2G39130) mRNA, complete cds

GGACACGCTGTTTTCCCAATATTTATAGTTCAATGTCAAAACCAAGTCAATATCCTTCAGTCCTCTTAACATGT  
TTCGTTGTTTGTACTTTGATGTATGCGGGGGT

>trans\_c\_11509AJ271079|Oenothera elata subsp. hookeri chloroplast plastome I, complete  
sequence

GAAGGGATGCATTTAGAAAATTGTAACGATAGTGGGTGGAATGCCTATGCTTTATTCTTCTGAAGGTGGGAG  
AAAAGATAAACTTAAATTAATAAGTCGTTTTT

>trans\_c\_11510AY066012|Cucumis melo aminotransferase 1 mRNA, complete cds

TCTGCTCTGCTTTGTCATTTCCCCCGCAGCCACACACCATTCCATTTCTCTCTCAAGGTGAAAACCTGAGAATTTG  
AGCATTATCGGCCACCTACGTACCCGCATGT

>trans\_c\_11511FM992561|Cylindrocystis crassa chloroplast partial 23S rRNA gene, strain SAG 23.97

GTGAGTCAGGGCCTAAGATCAGGCCGAAAGGCGTAGTCGATGGACAACAGGTAGATATTCCTGTACCACCTC  
ATGATTGTTTGAGCGATGGGGGGACGCAGTAGAGC

>trans\_c\_11512AJ628981|Chlamydomonas pitschmannii 18S rRNA gene, strain DBV 239

GTTTCACCGGCGTTCTCATCTTCAACAAAATAGCGAAGACGATCAGATACCGTCGTAGTTCCGACCATAAACG  
ATGCCGACCGGCGATCGCGCTTATAATCGAAACA

>trans\_c\_11513CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

AATTCTTATGTATGTGAATACGCCGAACGGGGGAAGGGGGAGCATGCCAACCGAGGAGACGCGCATCGGCCA  
GGAGGCGCTTTTAGGGGGGTCTATCCGCGCGAAGAT

>trans\_c\_11514Novel Gene

CGTGCTTCGCCTTATGCTAATGGAGATTGATGCTGGAAACAAGGCTGGATGTTGTGCTGGTAGAACTTAGATG  
ATGGTGTTTCTGCTATACTGTACAAGATTACTTT

>trans\_c\_11515FJ896113|Medicago sativa fructose bisphosphate aldolase mRNA, complete cds

TCCACAAGCAGAAGAAATCATGGAGAAAGATACCAACTCCTCATTGAACTCGCCCCTTCTTCACATTTCTGAAG  
ACGGCTCCAATGGCGAGAGACGAGTCAATGATG

>trans\_c\_11516NM\_114658|Arabidopsis thaliana ubiquitin thiolesterase/ zinc ion binding  
(AT3G47890) mRNA, complete cds

CATTGACGTTTTCGTATTTACAGCTCCCCATTTAATCTTTGTAATTGTGAAGATCAATAATATTTAGGCGATG  
TTGGCAAATGTTGTTCTGTCAACAATCGGGGA

>trans\_c\_11517NM\_106055|Arabidopsis thaliana TAF2 (TBP-ASSOCIATED FACTOR 2);  
metallopeptidase/ zinc ion binding (TAF2) mRNA, complete cds

ACGGCCAACTTACCTGTCAAGATGATTCTCTCGTGCGAGTTCTCAACGTATCTCCTGCCTGTGCTCTTGTGATC  
GGTATTGAGTTCCTTTATGGCTAGTTTGCACTT

>trans\_c\_11518NM\_001068874|Oryza sativa Japonica Group Os08g0532400 (Os08g0532400)  
mRNA, complete cds

CGAGGGACCACACAAGTGCGAGGGTGCCATATGCTTCTTTTAACTTGATGATAATGGCTGGATTCTGCGCG  
ATTGCAGGGATATTAAGTTTATTTTAACACGGC

>trans\_c\_11519Novel Gene

TCTGGCTTTGACAGCCCTTGAACAACAGGAAAATATGTGTGATTGATATTTCTATTTATGTCCTCAAAGATTGT  
TTGTTGAAAGGATAGCTTCTTGGAACCTTGGG

>trans\_c\_11520EF595957|Oreosyce africana isolate 2007-B50 tRNA-Gly (trnG) gene, partial  
sequence; chloroplast

AAATTGGATCATGAAATTACGAAACATAATTTTATTGATAACCTAGTTATGAAGGTAACTTCCTTATCCCTAG  
GTACCTATTTCCACCTTAAAAAAGATTAGCAT

>trans\_c\_11521NM\_105700|Arabidopsis thaliana UPL2 (UBIQUITIN-PROTEIN LIGASE 2); ubiquitin-  
protein ligase (UPL2) mRNA, complete cds

GTTGAAGGATCTCAGCTTGCTCTTGTTGAATCTTCGAAGCAAAGTCTAGGGGCTTAAAACATCTTTCCTGTCTTGA  
AAGTATACTGTGCTTGTGCAACTTTTTGTTGAA

>trans\_c\_11522Novel Gene

CATGCTCTGTTGCACAATCTGAGTAGTAAACACCCTTTTGATGTGATCTCCAATACATATATAGAAGATGATTG  
TGTTTCATGTTCCATCAGGGTCGCTATTATCCTC

>trans\_c\_11523AY054483|Arabidopsis thaliana Unknown protein (At1g28140; F3H9.20) mRNA,  
complete cds

GCTGGAGGCTGGGATTCTCACCTTTATCATACCTACGCTACTTCTAGGTCACCTGACTGGTTTGATGGACGACG  
GGGTAAACTTGCTCTGTTAGGTTTCATGGATGG

>trans\_c\_11524Novel Gene

TAGGGGGGGGATGCGGGGCGGGCAGGTTTCAGGTAGTAGAGGTAGGGGGGTCCGGCGCATCCTAGGGACAG  
AAGCACCGGCAGGCGGATGGTTTCACCGCCAAGCGTT

>trans\_c\_11525NM\_001052852|Oryza sativa Japonica Group Os02g0220500 (Os02g0220500)  
mRNA, complete cds

TATTTGTTGACTAAAAGCTTTACATCTGAGTTCCCCACGTTGAGAGGTACTTCTGGACATTGGTCAATCAACC  
AAATTTCAAAAAGATTTACAACAGACAAAACGT

>trans\_c\_11526X75898|S.oleracea pgm mRNA

GGAGGTGGAGGAGATATGCGACAGAGCCGCCGGAAGTACGCAAACAGAGTGGTCAAAGTCTCTACTCTTCT  
CCGAACGCCGCCGTCTGGGAACAAGCCCTGCAAAAA

>trans\_c\_11527XM\_001764093|Physcomitrella patens subsp. patens actin-related protein Arp4  
(ARP1509) mRNA, complete cds

TTTATCGGCATTCAGGTTCTCCGGATTTTCTCGCTCCGGCCTCTCTCTCTCCTCCTTCAACACTACGCGCAGGAT  
CGCTAACAAACGTGTCCAATGACATCACCTTGT

>trans\_c\_11528DQ485344|Arachis hypogaea 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

CAATGTTAATGGAGGCAAATTGGTGTATGGAGCATTACTACTGACTCAACAGATAAATACCCGTGATATGCGG  
TAAGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCG

>trans\_c\_11529NM\_119050|Arabidopsis thaliana emb2726 (embryo defective 2726); RNA binding /  
translation elongation factor (emb2726) mRNA, complete cds

CGTATTGGCGTTCTAATTGAAGTGAAGTGTGAACTGACTTTGTGGGGAGAAATGAAAGATTCAAAGAGTTA  
GTCGATGACCTTGTGACATGAAACGACATGACAG

>trans\_c\_11530DQ023524|Gossypium hirsutum cultivar CIM707 Fb37 mRNA, complete cds

ATCAATCACAACACAGGGGTATTGTAATTGTTTTGATCAATCCATGGCTGAAGAACATAGATGCCAAGCGCCG  
AAGCTTTGTGCGAACGGTCATAAGTAAAAAAT

>trans\_c\_11531M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons  
3-5

GCCTAAATCTCTATTTTTGCTAATATTTTACGTCTTTTTATTTATGGTTCCTATGGAGCTACATTGCAAGAAATC  
TTCTTTTCTGCAGCACCATCAGATACTAG

>trans\_c\_11532Novel Gene

AACGAGCCTTTCAAAGTAGTACTTTTTGTAATCGACTCTATAGCTTCTTCAGCGGGTATCACAAGAAGCTAGTT  
CAAACTTAAGTTTTCTAGTCAGATCCTTAAG

>trans\_c\_11533AY429422|Nicotiana tabacum phosphoribosylaminoimidazole carboxylase (purEK)  
mRNA, partial cds

TGAAGATGCAAAGAAAGCAGGTGTAATATTTGGTTATCCTCTCATGATCAAGAGCAAAGATTAGCTTATGAT  
GGACGTGAGGGCGCTGTTGCGAATTCATACCTC

>trans\_c\_11534NM\_001057702|Oryza sativa Japonica Group Os03g0731900 (Os03g0731900)  
mRNA, complete cds

GGAGTTAGTTGAAAAGGAGAACTGGCTACCCAAGGGTCATATCACAATCGGTGTCACATCTGGGGCTTCAAC  
CCCCGATAAGGTTGTAGAAGATGCTCCCGGAAAT

>trans\_c\_11535EU915109|Descurainia sophia phytochrome A (PHYA) gene, partial cds

CAGAGTTATACAACTGAAGGACATGGAAGTGTGGGATCAGCAAAAGGCTCATCCACTTCTCAATCATCACTGG  
AGTCAAATGACAGAGAGTCAGTAGTGAAGTCACTAC

>trans\_c\_11536NM\_001057140|Oryza sativa Japonica Group Os03g0597200 (Os03g0597200)  
mRNA, complete cds

AGCCTTGAGTTTTATTCAAGAAGCGGTGAATGAAGGATTCGTCCCGACCAGTTTACATATAATACTCTTGTA  
ATGGTTTGTGCAAGGTTGGTCATGCCAAGCGC

>trans\_c\_11537Novel Gene

GCAGTAAGTGAACCGCTCGCAGTGTAAGCTTTTCCACGCTCAAAGCCTTCCTTTTTGAAGATTTTACTTTTGTT  
AGGGAGTTTCGAGGGGCACACGTCGGGAGCT

>trans\_c\_11538NM\_001049908|Oryza sativa Japonica Group Os01g0570700 (Os01g0570700)  
mRNA, partial cds



TATGGCAGGGGAGGTTTTCTTGCTCGAGGCCAATCCTCGTGCTTCCCGTACGGTCCCATTGTATCTAAAGCCA  
TTGGGCATCCATTGGCTAAGTATGCTTCATAA

>trans\_c\_11539XM\_001701701|Chlamydomonas reinhardtii prohibitin (PHB1) mRNA, complete cds

GAATATAGATGCCTCTGCTACACCGTGCCCTGAATGGTGTGGAGCAGAGGGTCCAGGATAAGCACCAGGAGG  
ATATGCGCCCCGAGGGTAGCCAGCTGGGGGATAT

>trans\_c\_11540AB018411|Populus nigra PnCytPGK2 mRNA for cytosolic phosphoglycerate kinase 2,  
complete cds

GGGACAGCGGCACGGATTCTGGTGTTCATCGGTGATGTTGAAATTGTCATCCAAAGGAACGTTGAGATCGACT  
CTGACGAACACCCTCTTCCCTTCAAATCATCCT

>trans\_c\_11541GQ463773|Dalechampia spathulata internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal  
RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

TGAAAGCAAAGTGTTGCTGGGGCGTACCCCTCTCAACACACCACCCCCGTCGCTACGCACTGCGCCAGGCAG  
ACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCCGGGCGCAAC

>trans\_c\_11542XM\_002870377|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH dehydrogenase ND2, mRNA

TCATCAATGGACTCCTGACGTATACGAAGGATCTCCCACTCCAGTCGTTGCTTTTCTTTCTGTTACTTCGAAGAT  
AGAGTAGGGCTAAAATCCCACTTAGGCCCT

>trans\_c\_11543NM\_114541|Arabidopsis thaliana TOC75-III (TRANSLOCON AT THE OUTER  
ENVELOPE MEMBRANE OF CHLOROPLASTS 75-III); P-P-bond-hydrolysis-driven protein  
transmembrane> (TOC75-III) mRNA, complete cds

AGGTTGATTTGGATGGGAAAATAACGCTGATGGTACACTTGAAATCCAAATTTGTTGCTGAAAGTACTTG  
GCAATCTGCCGAGAGGTTTAGATGTATCAATAC

>trans\_c\_11544DQ191662|Solanum tuberosum elongation factor-like protein mRNA, complete cds

AGGCGTTCATATGGAGGGATTGCTTTGGGGAGCATCCAAACTCGTCCCTGTTGGATATGGTATTAAGAAACTA  
CAGATAATGCTCACGGCACAACTATCAAGGTGT

>trans\_c\_11545FJ907053|Morinda sp. 1 SGR-2009 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;  
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete  
sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

AATCGGGAGCCGACTCCACCCCTATACAATTCTTACACGCACAGGCGTAGGCTTGCCCCCTCCCCCTCGTACGG  
TTGGCTCCTCTGCGCGTAGCCGGTCCTCTATA

>trans\_c\_11546NM\_118203|Arabidopsis thaliana TPP2 (TRIPEPTIDYL PEPTIDASE II); tripeptidyl-  
peptidase (TPP2) mRNA, complete cds

CGAAGAGAATTTCAAAGAACTAAGGAAATGGGTAGATGTCAAGTCTTCTAAGTTTGGAACCTTGCGGTGTTG  
CGCGAGAAGCGCTCACCCCTCCAGAGGTACAAC

>trans\_c\_11547NM\_112285|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol-4-phosphate 5-kinase family protein (AT3G14270) mRNA, complete cds

TGGATATGGGAGAATGATTGCTTGTTCCTACTTCAACTGATGTGCATTCTGTATACCTTCCACCATCAAA  
ACTGGATTTCAACTATGAGGATCAGGAGTG

>trans\_c\_11548XM\_002863257|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ORF64c, mRNA

TAAATTAAAGTATCGTTCTCGTCTCCATTCTTCGTACATTGTTGGAAGTGCACCCCTTTGTGAGGAGGCAC  
CCCTTCTCCCGAAGTTACGGGGCTATTTTGCC

>trans\_c\_11549AF328810|Phylica thodei 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1 and 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

AGCTACGGAGGAGCTTATGGTTCAACTATGAATAATTCTCTTTACGGTTCTGGAATGTATGGTTCTTCTTCTAT  
GGTGGAGTCCGTATACCCTTGTTCGTGCGA

>trans\_c\_11550NM\_001068670|Oryza sativa Japonica Group Os08g0496400 (Os08g0496400) mRNA, complete cds

TCACAAAGGTTGGACAATAATGCTTCCACTGTGTGTGCTCATGGCTTCTATAATGACCACCAGCGCCGGCAACT  
TTTTAAAGACGTCGACAGGCACCAAAGAGGT

>trans\_c\_11551XM\_001695477|Chlamydomonas reinhardtii RWP-RK transcription factor (RWP6) mRNA, complete cds

TCTCAAAGACCAGGGCTACCAGAAGAGCACCACTCAGCAGAGCTAGAGACAAGGATACTGCTTGCAAGGCCA  
ACCAGCCAACCGCAGGGCCAAGCATGATAATAGT

>trans\_c\_11552XM\_002873223|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 12 (UBP12), mRNA

AAAGGAAACAACGTGGACCACCTGTCAATGTATTGGATGTTGCAGACTCTGGAACGTTGCCATACGGGTGG  
AGTAGATACGCCAGTTCAGCTTGGCTGTGGTTA

>trans\_c\_11553AY106419|Zea mays PCO091622 mRNA sequence

CGTATAAAAGAGCGGGATATTCCATTGAAGTGTGGAGCTTGAGAATAAGAATGACAAGATCATTGCATTTG  
CATGGGAGCGTTTCCCCGTGTCCAAACGTCAAT

>trans\_c\_11554AY628140|Gossypium hirsutum cultivar Acala SJ2 trehalose 6-phosphate synthase gene, complete cds

AGCATATTAAGTACCGTCTCCAGTCCTTCACTCCCTTCCGCTCCAGAAATCTTGCCTGTACTGTTGGACGAAAG  
CCAAGCAAGTAGCCCAAATAAGAAGCAGCG

>trans\_c\_11555CP000600|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 20, complete sequence

CTAAGGGTATGGGTCATAGCCGCCGTAAGAGGTTTATGCAATTTGGCAGCTCCCCGCGCGGGGAACTGCT  
GACGGAGCTTGCGATAACGTACATTGCACCCGAA

>trans\_c\_11556Y17186|Pisum sativum mRNA for translation initiation factor

AGAGCCATTAAGTTATTAGTTCTGGACGAGTCTGATGAAATGCTGAGCAGGGGGTTTAAAGACCAAATTTATG  
ATGTATATCGTTATAGGAACAACTCCAGGTGAA

>trans\_c\_11557GU983667|Malus x domestica gigantea-like 1 protein-like mRNA, partial sequence

TCCTGAAGTTGAATGGAGAATTTGTACAATCTGGGAAGCTGCTTATGGCTTGATTCCATTAAGTTCTTCTGCAG  
TTGATCTTCCAGAGGCTGAACTCTACTGAAAT

>trans\_c\_11558XM\_002872971|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mRNA guanylyltransferase, mRNA

TGGATGCTACTTGATCGACAGAGGTTTTAAATTTAGAAGAGTCCAAATGAGATTTCCGTACAGAAATGCAAAT  
GATGGCCAAGTTGAGAAGATTCACCACTACACA

>trans\_c\_11559NM\_001112087|Zea mays global transcription factor C (Spt16) (gtc102),  
mRNA gb|AF545812.1| Zea mays global transcription factor group C 102 (gtc102) mRNA, complete  
cds

GATAAAGACTCAATCAAAAAGAAAGTCAAAGCGACTGAGTGCTGGAGCCGTCCATTAGTTCCGAACTTGGCT  
CCGCTCATCTTCCGTAGTTTCATCTATTATTCTC

>trans\_c\_11560AB018411|Populus nigra PnCytPGK2 mRNA for cytosolic phosphoglycerate kinase 2,  
complete cds

GGGACAGCGGCACGGATTCTGGTGTGCATCGGTGATGTTGAAATTGTCATCCAAAGGAACGTTGAGATCGACT  
CTGACGAACACCCTCTTCCCTTCAAATCATCCT

>trans\_c\_11561XM\_001689455|Chlamydomonas reinhardtii succinate dehydrogenase subunit b560  
(SDH3) mRNA, complete cds

AGATCTAGTCCTAGACAGGCAGACTTACGGGGCCACTATTTGCATTGCCACCGTCCCCGTTAGAAGGAGGGCT  
GCCTCGGCGCGTCTACCCGTAAGTCCAACCTTA

>trans\_c\_11562AB498088|Arabidopsis lyrata At1g23760-like gene for BURP domain-containing  
protein, partial cds

TTATGGTCAGAAATGGGAATGGCCAGAGCGTGGGATTCAAGGTGTATGGTGTGAATACGACGTTCAAGGATTA  
CGCGAAACAGGGAATCAATTTTGCGAACGCACTA

>trans\_c\_11563NM\_115311|Arabidopsis thaliana ATGCN4; transporter (ATGCN4) mRNA, complete  
cds

GTCTTTCTCAAGATAACTGGCTAATCATCAACCTCAGCTTTAATCTCCTTTTGCAATTCTCCTTGTATTCTCGA  
AAGTGCCAGGGAAAACTCCACAGTGCCAT

>trans\_c\_11564NM\_001062349|Oryza sativa Japonica Group Os05g0472200 (Os05g0472200)  
mRNA, partial cds

TCTGCCTTATTGACAGACTGAGGAGAGAATCAAAGCCCTCTCCTTTCCTGATCTAAAGGTGGACGATCGACGG  
AGGGTCTAAGACAGGAGGAAGGAGGAGGACGGA

>trans\_c\_11565EF564802|Viola pubescens LFY gene, complete cds

TCTTGAAGGCTTTGCTTATGATCTTCTCGCCAGGGGTTCTCCAGGATGTGGTCGGATGTGTGGGGGTGGTTG  
ACAGAGTGGGAGTAACGTCGGTGTGCCGGGTAG

>trans\_c\_11566XM\_002886280|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata expressed protein, mRNA

CGGCAAAATGGATCCGTAACCTCGGGAAAAGGATTGGCTCTGAGGGCTGGGCTAACCTGATGATAAAAGCA  
GGGCTCTGTTGCCTTGAGTGAACAGTGCTCTCGTA

>trans\_c\_11567XM\_003058575|Micromonas pusilla CCMP1545 alpha tubulin (TUA1), mRNA

TAGAACAGGGACATACGCCAACTCTTCCATCTGAACAGTTAATCAGTGGCAAGGAAGATGCAGCTAACAAT  
TTTGCTCGTGGCCACCGCACCATGCCCCGTGGGG

>trans\_c\_11568AY438613|Spathanthus unilateralis NADH dehydrogenase subunit F (ndhF) gene,  
partial cds; chloroplast

AAGCTGCAGAGTCTAAGCCCCTTGTAGGTTTGAATAAAGTAACATGGGAATCTCCGAAGACTAATGGGAATTC  
CAGCAGTAACAGCAAATTGTTGGATAATGAAGA

>trans\_c\_11569XM\_002310176|Populus trichocarpa flavine-containing monooxygenase (FML8),  
mRNA

CTTTCCTGCTGACTTAGCCGGTGAAAAACCAATTACCAGAAGTTTGGGCATGTTGTGCAAGTCAGGATCCAT  
CGCCAGGAGTCGTTTCCCCATTGGTCTAGTTTC

>trans\_c\_11570EF614126|Mikania micrantha microsatellite Mm01 sequence

TAATTAAGCTTTTTATGTATAGTAGCTTTGGTTGGAGGCTATGTGTGTGTGTGTGTATGCAAGTCCCAACCT  
TGTTTCATGGCTACCGGGAGCCCGGGGCGGAAC

>trans\_c\_11571AF214683|Acleisanthes anisophylla rbcL gene, partial sequence; chloroplast gene  
for chloroplast product

ATTCATAATTGCTCAGCCACTTAAAAAAAAAAGGTTCCGTTATATATAGTGAAGTGATACTTAGCGTTCTCTCA  
AAAGAGAATTATTTTTTTTTTACGCCCCCGTT

>trans\_c\_11572U68086|Mourera asperau ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large  
subunit (rbcL) gene, chloroplast gene encoding chloroplast protein, partial cds

CAGAGGCCCTGAGTTCTTGCATTACAAGTGCCATTGATCCCCGTGAGGAACTAAGGGAGCAGAAGTGCTATA  
AAGTGGATTCTGCAGCGAAATTGCCTTCATTGTC

>trans\_c\_11573Novel Gene

AACAGCAATTGCTCTCTTGTACAGAAGAAGGGATCAGTAATGAGCAAGTCATTCAATTATGCATTTTTTCATCT  
GATGGTACTCGTTCATAGGACCATGGAGAATT

>trans\_c\_11574AB198717|Solanum tuberosum StrbohD mRNA for NADPH oxidase, complete cds

TTTAGAAGAAACAAACTCAAAGTGCCCAAACCTTTAAAGAAACTCACCGGCTTTAATGCCTTTTGGTACTCCCA  
CCATCTCTTCGTCGTGGCCTTCGGGATATTCT

>trans\_c\_11575NM\_111140|Arabidopsis thaliana DJ-1 family protein / protease-related  
(AT3G02720) mRNA, complete cds

ACCAGAATATTTGGCCCTGAATCCACAAGTTATTGCAATTGTTAAGGAGTTTATGGAGGCTAGAGGATTGACC  
ATCCTCGCTCATTGCAAGTGGTGAGCTCCGCTC

>trans\_c\_11576Novel Gene

GCCCCATCGTCTAGTGGTCGAAGATGATGATTGAAGCAGGTACTTATGATAATCGGGCATATCTTACTGTTCT  
CCTGGCGCGCGATTGTTGTAGTTGTCGGCTCAA

>trans\_c\_11577NM\_115133|Arabidopsis thaliana ubiquinol-cytochrome C reductase UQCRX/QCR9-  
like family protein (AT3G52730) mRNA, complete cds

GGATTATGGAGTCCAGAACTCTGGGAATACAACAATGTTGGGAAACGGTACGAGGACATTTTCAGTTTTGGG  
GCAAAGACCAGTGGAAGAATGACCCACCGATGT

>trans\_c\_11578XM\_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

GCACTTGGTGATTTGTTCCAGAATGAAGCTCTTGCTAGAAGCACAGATGCTGTTTCAGCTTGCCGTGCTCTGGT  
CAATGTGCTTGAAGACCAACCAACAGAAGAAA

>trans\_c\_11579NM\_116363|Arabidopsis thaliana ATP binding / kinase/ protein kinase/ protein  
serine/threonine kinase/ protein tyrosine kinase (AT4G01330) mRNA, complete cds

AGTGGTGAGAGTAGAGGTACTGTGAGTGAACTGCTTCTTTTGGATCTGGTACTGTTGGGCCTGAGGTTTCAC  
ACCTCGGTTGGGGAAGATGGTATACTCTGAGAG

>trans\_c\_11580AB025005|Cicer arietinum mRNA for pyruvate kinase, partial cds

CCAGAGAAGGTGTTTTTGTTCAGAAAAGTCCCTTTATAGATGTAATATGGCTGGAAAGCCTGCTGTTTTAAC  
TCGTGTGGTAGACAGCATGACTAACAACTTGA

>trans\_c\_11581NM\_179246|Arabidopsis thaliana SAM1 (S-ADENOSYLMETHIONINE SYNTHETASE 1);  
methionine adenosyltransferase (SAM1) mRNA, complete cds

AAGGGCACATGGGGGGCTATGCCACTGATGAAACCCCTGAATTGATGCCTCTTAGCCATGTCCTCGCCACCAA  
CGGTTGTGCTGCGGGTGTCACCTGGAGAACCTT

>trans\_c\_11582AY110402|Zea mays CL2596\_1 mRNA sequence

AGTCTTGCCGGGGATTACCTGCAGAGCTTGCTGCCAAGCTGGTTGTGAAGGAAGCTTTCGGGTCAAGGGGGT  
TGAAGGATGATACACAGACGAATCTTGTTTTATA

>trans\_c\_11583NM\_125835|Arabidopsis thaliana HEN4 (HUA ENHANCER 4); RNA binding / nucleic  
acid binding (HEN4) mRNA, complete cds

GGTGGGGTTATTGGGAAGTCGGGATTCGTGATAAAGCAACTTCAGCAATCTACTGGAGTTAAGATTGCGGTT  
GAGGAAGCTCCGAGTGAATCACCGGACAGGGTTG

>trans\_c\_11584X86700|H.annuus mitochondrial trnW gene

AAGAAATGGCAAGATAGTGTATACCAATAATCAATCTCAGAATACAGGGATTCTCTACAATGAGACTGTAGAC  
CAATGGACCTTTCGTGCTACACTACCAATGATA

>trans\_c\_11585AB238209|Brassica rapa BrAO2 mRNA for aldehyde oxidase, partial cds

CTCAATCTGCTGTAGATTTGGGACAGATTGAAGGAGCCTTTGTGCAAGGAATTGGATTTTACATGTCAGAAG  
AATACCTGATAAATCCTGATGGACTAGTGATTA

>trans\_c\_11586Novel Gene

TTAGGAATCAGTCGAGATAAGCGAAAGAGGAAGACTAGTTCTTGGACTAGATTACATAGACTAAGCCCCATT  
ACTACTGTTTTTATAACATCGACATCTCAATCC

>trans\_c\_11587NM\_001058162|Oryza sativa Japonica Group Os03g0805300 (Os03g0805300)  
mRNA, complete cds

AAGTATGGCAATGCTAATGTATGGAAGACGTTTACAGATCTTTTTGACTATTTTCCTTTGACTGCCTTGGTTGA  
GTCTGAAATATTTTGTCTCCATCCACCCAACA

>trans\_c\_11588Novel Gene

TTGCATTTCTCTCGCCGCTCATCAAAGACTTCTTGGGTGGCTTGAGAATAACAGGAATTGATGATATGGGTCC  
GGTTGTTACATTAGATTTTGAATTTATATGAT

>trans\_c\_11589NM\_001052556|Oryza sativa Japonica Group Os02g0169400 (Os02g0169400)  
mRNA, complete cds

CACTAACGACGACTACCTTCTTTCATGTTTTCCCTTCCAAAATGCATCCCTGCCCACTTGAAATCTTCTGGAG  
GTCACCCTCGAACAGACTGTTGCTCAAGGTC

>trans\_c\_11590NM\_121303|Arabidopsis thaliana ATGSL12 (glucan synthase-like 12); 1,3-beta-  
glucan synthase/ transferase, transferring glycosyl groups (ATGSL12) mRNA, complete cds

TTATCTTCACCATCTTCCGCTTGTGATCAGTTGGCCAAAGAAGGCCCTAGTGTTACGAAGGGCAATAACTGC  
AGCTTGATCTCATGATATCTCATAATCGTCT

>trans\_c\_11591XM\_002893343|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata T24P13.4, mRNA

TTTCGATTCATCCTATTTTCCAAGGGTTTCTATTAACCTGTAACCTGGGTAAAGTATACTACCCTCAACGCCCA  
CATAACCCGCGACGAGACGCGCCGCGAGCCT

>trans\_c\_11592X63606|N.tabacum atpC mRNA for gamma subunit of ATP synthase

GAAGACCATTCTCGGAATCTCTAGTTGAAGTACTTTACAATATCAATGAGCAGCTCCAAACCGAGGATATAGA  
TGTTCTCTGACTAAAGTTTCGACCAGTCACTCC

>trans\_c\_11593Novel Gene

GACTAGGTGACTGGTCTGAGGTCAGTACGGACAAGGGGAATCCGACTGTGACAGTTATCCCTGGCTGATCTT  
GGACATAAATCTCATTTACACGAGTGATGTAAGT

>trans\_c\_11594AY098895|Citrus hybrid cultivar starch phosphorylase type H mRNA, complete cds

GAAAGTTGTGGCTGAAGATGTCAATATTGAGCACAGCTGGGAGTGGAAAATTCAGCAGTGACCGAACAATTG  
CCCAGTATGCCAAGTCCCGCGTCACCATACCCTG

>trans\_c\_11595AM087200|Solanum lycopersicum complete chloroplast genome, cultivar IPA-6

ACAAAAAAAAAATAAAAAGTAAGTGGACCTAACCCGTTGAATCATGACTATAGAGTGAGCGTTATCATTAAG  
TTGGATCATGCTCTCCTTGGCAACTAAGCGTGT

>trans\_c\_11596AY146587|Triticum turgidum subsp. durum Pm3 locus, genomic sequence

TCGACCCCTTCGTGTACTCTGTCTGAGGAACTGAGTTCTGGAAGTCTGATTCTTCCCTTCTCTCCAGTCGAACG  
AAAGCTCTCAAAGGAGCCAAGAACGCCAGGG

>trans\_c\_11597EF600682|Saussurea medusa dihydroflavonol 4-reductase (DFR) mRNA, complete  
cds

TTGGTGATGGGTATTGGAATTGATCTTCTTTCACTGTTGTCCATGTTGTTTCTTTAGGGAAGTCAGCAAACGAT  
AAATGCGAATTGGACGTGGAAGACTTGGAGCT

>trans\_c\_11598EU555286|Solanum lycopersicum protein kinase 1b (TPK1b) mRNA, complete cds

GTGATAGAGACTGAAGTTGGTCATTGCAGGGGGTTCCTATTTCAACCTCTTCTTGGGGCCTCCGTTTGAAG  
GTCGCACTTGGTGCTGCAAAGGGCTCGCCTTT

>trans\_c\_11599NM\_001112597|Zea mays H<sup>+</sup>-translocating pyrophosphatase (LOC100126542),  
mRNA gb|EF051578.1| Zea mays H<sup>+</sup>-translocating pyrophosphatase mRNA, complete cds

CGCTGGTAGTACACTCCTTTGATCTGGTGATTTCATCAATTGGCATTCTCTCTATCAGGAGGGGTACTCGTGAA  
TCTGGTGTTAAGGGTCCCAATCTCCCGTTGTA

>trans\_c\_11600DQ455212|Medicago truncatula cDNA-AFLP fragment BC42M31\_143 sequence

CCTGCCTCACTGCCATTGTCACCGGAGGAGCAAGCGGGATTGGGTTAGAAACGGTGAGAGTTTTAGCGATGC  
GAACCTGTGTACTAGTGATTGATGGAGCGAAA

>trans\_c\_11601AF354503|Cucumis melo PTH-5 PTO kinase-like gene, partial sequence

ACACATCAGACAAGCAAGTAATTTATAGAGATTTCAAGGCTTCTAATATTCTACTTGATGGGTCATATACAGCA  
AAGTTATCGGACTTTGGCTTGGCGACATTGTG

>trans\_c\_11602EU922550|Pelargonium cotyledonis photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB) gene,  
complete cds; chloroplast

GGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTTTACTCGAGACAACATCTCCAATTTGACAGGCGCTATCC  
GCCTCAACACCCGCTGACAACACATATGTTAT

>trans\_c\_11603AC092750|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare from chromosome 10, complete sequence

ACGGGATACAGCGGCAGGGTTGGTTGATGGGGGATGCCGGAATCATGGGAGTCGGCATGTTGGCTGCGGTA  
CAATAGAGTTGTAATTCATTAGTTATTCCAGATGC

>trans\_c\_11604NM\_101164|Arabidopsis thaliana importin-related (AT1G12930) mRNA, complete cds

AACAGTTGGCAGCAATTTGCAGTGTCAGTGAAAGAACAGACTTGAAACCTGTCCTTCGCTGGGAATCTTTGCA  
TGGCTGGCTACTATCAGCGGTGCAGGCTCTCCC

>trans\_c\_11605Novel Gene

ATGAGCATATATGTTTCCCTTTTGCCTTGTCTGGTGGGCCTTGGGGAATTATGTACTAATAATGCTCAATAATT  
ATGGTCAAACCTCAAACAGTCCGAAGAACACG

>trans\_c\_11606AF367310|Arabidopsis thaliana At2g36880/T1J8.6 mRNA, complete cds

CTTCCAGATCTACGCTGCCGATTTTCATCAGAGATGGAGACCTTTCTATTTACCTCTGAATCCGTAAATGAGGGT  
CACCCCGTGGGACTCTGTGACCAGATCTCCGA

>trans\_c\_11607AY729667|Malus pumila ER-binding protein (bip) mRNA, complete cds

CACCGGCATCCTTGGTTGCTTGCCTTTGGGCATCATTGAAGTAAGCTGGAACAGTGACGACGGCGTCCTTGAT  
TTTCTTTCCAAGGAATGCTTCCGCTGTTTCCTT

>trans\_c\_11608NM\_001125575|Arabidopsis thaliana arginosuccinate synthase family (AT4G24830) mRNA, complete cds

TGGAAGATCCTGCTAATGAGCCAAAGAAAGACATGTTTCATGCTATCCGTTGATCCCGAGGATGCACCGAACCA  
ACCCGAATACGTTTCTCGGTCCTGGTTCTCAA

>trans\_c\_11609XM\_001690476|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GGCGAGGCCAAGGTGGGGTTGGTGGATACTATAGAGACCGGATGGGCCAGTCTCGAGGAGGCAATGCAGG  
ATACCAAAGCACCCGTTATCAAGATGCTGCATATAA

>trans\_c\_11610Novel Gene

CTAGTCCTCACTGGTTTAATTTAAACAAAGGCTGAATTCAAGCTAATATGGATATAAACAAGTCCTTCGGACGG  
GTTCAAAGAATATTGAATAGAATATTAGCTTT

>trans\_c\_11611GQ221030|Lepidium sativum cultivar FR1 constitutive triple response 1 (CTR1) mRNA, partial cds

TTCTAGTGCTGATTTGTCAACAGAGTGTGCTAATTCCAATGGACTGCCTCTGTTGAAACTCCGATCAAGAATAT  
CTATGATTTTTGAGTCTATTCTGGGAAGCAGC

>trans\_c\_11612Novel Gene



TGTGTTTCTGGGGTATGCAGCCAACTAATATTTGTTGGATAACCTAAACCTATCATATCTAATTTAGTTCAGC  
GGGTGAGGCATTTACGAATGAGGCCTTATGAG

>trans\_c\_11613DQ525855|Agave tequilana chloroplast glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase  
B subunit mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

GAAGAAAGGCATCTCCGCAGACGATGTCAATGCTGCTTTCAGAAAGGCAGCTGATGGACCGTTGAAGGGTGT  
TTTAGCTGTGTGTGACATCCCTCTTGTTCCTGTG

>trans\_c\_11614AY065006|Arabidopsis thaliana At1g36070/T22A15.1 mRNA sequence

AGAAGGATCGGACAGGTTGGAGTTCTTACCTTCTTCGGACTCTATGGACCAAGATCTGCTTTTATTATATGGGC  
ACGCGAGATCGACCCCGATAGATGTATAAAGC

>trans\_c\_11615NR\_022376|Arabidopsis thaliana (AT1G67328) otherRNA

GGCAGAAGTCCAGTTTCAGTCGATAATCCATTACGCAACCTCGAAGACAGTTCACAACAATCAATCGACGAG  
ATCCATATCTCGTACGACGTATACTTCCATGCG

>trans\_c\_11616AB087436|Anthoceros formosae chloroplast cysA mRNA for sulfate transport ATP-  
binding protein, complete cds

AACAGAAAATGCACGAGCTCAAGAAATTCAAAGGATTCTGATTCTCCTGTTCTGAAAATGACTCTGATTGTG  
ATAAAGCTCCAAGTCAAGTACACAGATGAACCT

>trans\_c\_11617Novel Gene

CACTGTAAAGCTAATACCACTACCATTAATCCAGTATCTGATCATCAAACATGTAGGCTCTTTAAATATGGCTCT  
CAAATTCGTCTATTCAACCAAGGTTGCGCTG

>trans\_c\_11618Novel Gene

GAGCCTCTTCCTTCTCAAATCCTTTGAGCCTTCTCGTTGTGAATACTATTCTATGTGAATGATCCCTTGTTTCAT  
CAGAATAACTCCCCGCACCCGTGACAACT

>trans\_c\_11619NM\_001084046|Arabidopsis thaliana eukaryotic translation initiation factor-related  
(AT1G11480) mRNA, complete cds

GATGACAAAACCTCCATTTCTTGCTCCTGCTGCACACATTGGTCGGAATTCGATGAGGATGAAAGGAAGCCTT  
TAGGTGGTGTAACTCCTCCGCGGCGAACTATTA

>trans\_c\_11620EU930859|Juglans cinerea marker CAPS08 genomic sequence; plastid

TGAAAGTTTCAATTAGTTCCTTATAAGACCCAAAAGTCTAGTCTAGGGGAGTTGAAAGGCGGGAATGGCCAA  
GATTCATCTCAGATACAGTACAGGCGAGGCTTAG

>trans\_c\_11621EF595955|Myrmecosicyos messorius isolate 2007-B48 tRNA-Gly (trnG) gene, partial  
sequence; chloroplast

CTTACAATAAGGATCGGCGTTACGATTAAGGGGGGCCTTGTCCCGCTCATGGATCCCTTATTCCTTCAATTGG  
AAGTATTGATCCAATTCAATAAAATTATGTTT

>trans\_c\_11622NM\_001125641|Arabidopsis thaliana protein binding / zinc ion binding  
(AT4G34100) mRNA, complete cds

CCTCCATTTTCTCTTGATATATCGGTATCGGATCCCTTCACAGAGATTCCGGCTGACATGCTTCTGTTTCAA  
TCTGCATCCCTCCTATCTTATGAACAACCTT

>trans\_c\_11623XM\_002318894|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTC903),  
mRNA

AGACCATTGGAGGTGGAAAGAGATCAGCCTATGACCCAGATGAGATTGAGGAAGAGCAGAGGGAGAGGGA  
CAGGAAGAACACCCGCCACGTTCAAGGACTCTTTT

>trans\_c\_11624DQ226655|Boechera divaricarpa isolate SLW-6-C06 mRNA sequence

TCTTATCTTCTCTCTCTTCTCTTTCAGCAAGACTATGGCTATCAGTGGCTTGGCCTCGACGTGCTCGAACATG  
AACATAATCCAATTTTTTAATTTCTTCTGAC

>trans\_c\_11625EU922550|Pelargonium cotyledonis photosystem I P700 apoprotein A2 (psaB) gene,  
complete cds; chloroplast

GGATCCTCATTTTGGTCAACCGGCCGTCGAAGCTTTTACTCGAGACAACATCTCCAATTTGACAGGCGCTATCC  
GCCTCAACACCCGCTGACAACACATATGTTAT

>trans\_c\_11626Novel Gene

AAGCAAGGTGAGATTAACAAAATTGGGGCCATTGGCATTGGTTGAAAGTTCATTTGAGGACTAGATTTCAG  
GATTTGATTTTTCTAAATATTAAGGGG

>trans\_c\_11627NM\_105384|Arabidopsis thaliana SWEETIE (SWEETIE); binding (SWEETIE) mRNA,  
complete cds

GGGTGTTCTTTTGCAGGCCATTCGTCTCAGATATCTGCATCCAGATACTGGACTCCAAGATTTTGCAGTGCAG  
GTTATGGATGTACTTCGTGTAGATACTTCTGT

>trans\_c\_11628XM\_002878989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-2 (CAM2), mRNA

ACGAGGTTAGAGAGATCTTAGAAGAGCATGATGTGGACGGTGATGGTAACCTGACGAAGCAAGAAGTGATG  
CAAGCCCTGAACCTCCAACTCATGGAGAGTTCTGA

>trans\_c\_11629Novel Gene

GAAGAGAGAAGTGGAAGGATTGGGGGGATTGGTGGATCGTGATCGCTTCAGAGAGTTCATGACATGAGAA  
AGAGATTGAAAGAAATGGGAAAAGGAGGGAGTTTT

>trans\_c\_11630NM\_201882|Arabidopsis thaliana E2F3 (E2F TRANSCRIPTION FACTOR 3); DNA  
binding / transcription factor (E2F3) mRNA, complete cds

GAAGCCAAGTCAATTTGGGGCCACCAAACCTGCAACTGATGAGAAGGCCCTATGGACTAAAGGGAAGCGTG  
TACGTTGTCACTCCCTGCCTTCATCCGCAAG

>trans\_c\_11631NM\_124165|Arabidopsis thaliana RBOHD (RESPIRATORY BURST OXIDASE HOMOLOGUE D); NAD(P)H oxidase (RBOHD) mRNA, complete cds

ATTGGACAAGGAACTTAAGGATGTGTTTTTCAGAGGTTGTCAGCCTCCTCAAGCTGGTAAAAGTGGACTTCT  
TAGAGCTGAGCCCCCATGAGAGACTCTCTTCCC

>trans\_c\_11632GQ998697|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 ribosomal protein L2 (rpl2) gene, complete cds; chloroplast

GAGATTTTCGACGGAATGAAAAAGACATATATGGTAGAATCGTAACCATAGAATACGACCCTAATCGAAATGC  
ATACGCCCACTCTGCGTGTGCGAAAAGCAACAG

>trans\_c\_11633DQ226575|Boechera divaricarpa isolate SLW-2-C08 mRNA sequence

AGTGCAGAGGGCACATCTGCCCAACAGGGATGGAGACAGGTAGTTGATGCACTCTGCAATGTTGTATCTGCA  
TCCCCAGCAAAGATGAGACGTCTGTGTGTACTTT

>trans\_c\_11634XM\_001702304|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TGGCGCCATTCCCGGACCTAGCAGCAGACGGGCAGGCCGGGCCAGAATTCAGACCAGACTCTTCTTTCTTTGA  
GCTGCTCCACGCACGCAGACCGGAAGATCTTG

>trans\_c\_11635AY149966|Arabidopsis thaliana At2g17220/T23A1.8 mRNA, complete cds

GAAAGCAAATCTCATCTGACGACTCGAGTTATGGGCACACATGGTTATGCTGCTCCAGAATATGTTACCACAG  
GACATCTATATGTCAAGAGTGATGTGGCGTTCC

>trans\_c\_11636NM\_123413|Arabidopsis thaliana RNA recognition motif (RRM)-containing protein (AT5G40490) mRNA, complete cds

TGACTATGGGGAAATTACGGA CTCTGTCATAATGAAGGACCGGAAGACTGGACATCCCCGCGGATTCGGGTT  
TGTGACTTATGCTGATCCCTCTGTCCATCTATTT

>trans\_c\_11637FJ938290|Gossypium hirsutum calcium dependent protein kinase 1 (CDPK1) mRNA, complete cds

CGATCTAGATCTCCTGAAAACCTCAGTTTCTCATCATACTAATGGAGAAAGTGTCCATGAGGTAGCAGCTAGCG  
AACCTGAATCGCCTTTGCCTGTTCAAAACCAAC

>trans\_c\_11638AF322108|Lycopersicon esculentum SNF1-related kinase complex anchoring protein SIP1 mRNA, complete cds

CAAAGCATAGGAAAAGAATTTATTACTATCAAGACACTTTCGTGCGGGGATCTACCATTATCGCTTCATGGTTGA  
TGGATGGTTGACATGTGCTCCTGATTGCCCCG

>trans\_c\_11639XM\_002865340|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mate efflux family protein, mRNA

CAAACCCAAAACGTGACAGTATTGATCACTGGCATGGCCCGATACAACCTCATAAACCCAGTGTTGACGGTAT  
CGGCCTCAACACCATCATCGTTTGAAATGGTA

>trans\_c\_11640XM\_003057494|Micromonas pusilla CCMP1545 transcription elongation-nucleosome displacement protein Spt6, mRNA

GAACCTCCCTCCCAGCTCCTTTGGAGATCCTCCCCGTCCCGTAAGAAACGCGCGAAAAAGGGGCCCAACGCCC  
AAGCGCCGCCCATGCAGGCACTATACTAACCCG

>trans\_c\_11641DQ923944|Diospyros puncticulosa voucher Duangjai et al. 018 (BRUN, W, WU) ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds; plastid

AGCTATGAGTGCTACAGATGGTCTAATGAGAGAGGCAAGGACAACCAGTGTAGAGATCTCCTCGGACACCTT  
GACTAATAAGATAGTCTCTAATTAGCGGGGGTTT

>trans\_c\_11642AY107856|Zea mays PCO096715 mRNA sequence

AATGGAATCCCTAGGTTTTACATCCTTCACATCGAGAATCGCCCATTTGAATTCTCCTCTCATGAGAGAGGATC  
TCCTGATCTGAAGCAGGTATCAATAGCATGCT

>trans\_c\_11643NM\_115508|Arabidopsis thaliana serine-rich protein-related (AT3G56500) mRNA, complete cds

GTGTAACAGCAGCCTGAAGTTTGTTGATTCGGGTGTGAATTTGCTGGCACTGCGTGTGAGGCTTTGGCTTTG  
TTTCGATCCAGGTCCAAGTGGTGTGCTGTCTG

>trans\_c\_11644NM\_001187880|Oryza sativa Japonica Group Os06g0504100 (Os06g0504100) mRNA, complete cds

CGGTTCTGCTTGACAACATCCCCTAAATAACTTTGGTAACTTAAGCCTTATACCATTTACCGAGGACCCACCCC  
TTGATGTGGAAACCGTTTGTGATATCGTTTG

>trans\_c\_11645Novel Gene

ATGGCAGTCGTCTGCAAAGGGCCTCTAGTACTAGTCGCCCGGTTCAAGTCTTATGTATGGCAGAGCGGACGG  
GATGCCCAGTTTTCACTGACCTGTGGTCGTATGT

>trans\_c\_11646XM\_002314778|Populus trichocarpa aminoimidazolecarboximide ribonucleotide transformylase/inosine monophosphate cyclohydrolase (AICARFT/IMPCH1), mRNA

AAGAGTCTTTCTGAGGTCAATGCTGGTGGTATTGCTACAGCAGTTCAGCACCATGGAAAGGAGATGTCATATA  
ATAACTACTTAGATGCCGATGCAGCTTGAGGCC

>trans\_c\_11647AF405309|Lycopersicon esculentum coiled-coil protein (FPP) mRNA, partial cds

TCCACTCTCTCTTCAACATCAACTTCATCATAACATATCTCTTAATCCAAACCAACCACTTCTGTTTCATCT  
CTAATTCTTTCATGGATCCTGAAGGGGAA

>trans\_c\_11648XM\_002879177|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata thiamine biosynthesis family protein, mRNA

TGGCACGGCCCTTCTCTGTTATGTTACACCGAAAGAGCATCTAGGTTTGCCAAATCGAGATGATGTGAAGGCT  
GGAGTAATAGCATATAATCTAGCTGCTCACATG

>trans\_c\_11649Novel Gene

TTTGC GCGTTCTCGAGTTTACACCAAATGATGGAATCGGAAATCCTTG TACCTGCTGATGGGCTCAAAGTGA  
CCCTTCAAATGGGTTTCATGAGCATGAAAGAG

>trans\_c\_11650EF416190|Sesbania rostrata cDNA-AFLP fragment 044BT43M32-338.3 genomic  
sequence

GAAACTTCTGAGAAGCAATGGACGCCTTGGTTGGTTCCTATGTTTGTGTGGCTAATATTGCTATGTTCAATTGT  
GGTCATGTACGTGTGCGGCCATTTGCGCCTCG

>trans\_c\_11651AB457823|Rosa clinophylla var. glabra chloroplast matK gene for maturase K,  
complete cds

ATGGTATGATATGCGATATGACGCAGTTACTTCCCTAGGCAGGATTCTCACTAAGAAAGTGGAATATTCTGTT  
GATCAACTCTTACCAAATGAACATTTCAATAA

>trans\_c\_11652XM\_001699844|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TGCTGTACGGCCAAGGCGTGGTTCCACAGCCAGGATTTGAACCTGGATTTCAACAACAACCTTTATGCCATAGT  
GCTACTGTTGAAATACGAATGCCCCGACTGTC

>trans\_c\_11653XM\_001696300|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGGTTCCGGCTTTGGGGGCGGTTGGTTCCAGGAACTGGCGAGGTTGCTTCGGGTCGCTAGGGCGGGAATG  
AGACTACCCGCCGGGGGGGAATGTCCGATGCAT

>trans\_c\_11654AF265664|Solanum tuberosum resistance gene cluster, complete sequence

GAGAGGGTAGAGAGGGATCTTAAGGAGGGGAGTTGGGTATGAAATTGCCATAATAGTGGCACCTTTGGTGC  
TGTGGTGTTATATAGACGCACCCGCTAGCGAAAAT

>trans\_c\_11655NM\_180603|Arabidopsis thaliana SR1; RNA binding / nucleic acid binding /  
nucleotide binding (SR1) mRNA, complete cds

CAGGATTACCTTCTTCTGCTTCATGGCAAGACTTGAAGGATCACATGCGACGAGCGGGGGATGTTTGTTCCTC  
CCAAGTGTTCCGCGATAACGAGTTTCAACACCC

>trans\_c\_11656FJ821720|Populus euphratica CBL-interacting protein kinase 12 mRNA, complete cds

AATTTTAATTCCAGGAGCATCTTGTTACCGAAAGAAAAGAGAAGCCAGTGTCCATGAATGCTTTCGAGCTTAT  
CTCTAGGTCACCCGGTTTTAGAGAACCCCGAG

>trans\_c\_11657AL161572|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 68

AAGTCTGCTTCATACAGTCTTCGAGAACAAGCTGCTAGAACGATTCTACGCAATGTAAGGTCACAAGGGCACA  
CATACGTTGAGCTACGAGACCCGTTTCCCAAGT

>trans\_c\_11658AF195868|Vitis vinifera pyruvate decarboxylase 1 (PDC1) mRNA, partial cds

TTAGGTTGCGCCTCAATGGGAACCGCCCCATTCTACAAGCCACCATGCGAGGACACTCAACCTCCAGCATCTC  
GATAAAAGGGACGGAGTTTTGTCAAAGAAGATC

>trans\_c\_11659XM\_002883298|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-containing protein, mRNA

GGTGTGATTGGTACGTAAGGTGTTTGATACAATGCGTAAGAGAACTGTCGTTGCTTGAATACTCTTATTGC  
TTGGTATGTGAGAACGAGAGAACGTATCAGAGA

>trans\_c\_11660Novel Gene

ATTGAGATAGATGGTGAGATTTTGAGTAAGAAAAATGGTGGGTTTTGGTTGAGATTGAGATTGAGATTGAGC  
TGGAGGTCTGGGTATGTGGTTTTGAGAGTTGTAG

>trans\_c\_11661Novel Gene

ATGGCAGTCGTCTGCAAACCCACTCTAGTACTAGTCGCCCGGTTCACTGCTTATGTATGGCAGAGCGGACGGG  
ATGCCAGTTTTCACTGACCTGTGGTCGTACGT

>trans\_c\_11662AY354208|Cucumis melo Hemed aminotransferase 1 mRNA, complete cds

CATTGGCCAGTTCAGTCTGCTCTGGATTGATCAGCAGCAGCGCCTTAACCTCAACGTCGATGTCGTCGAGAGC  
GACTGGGGTCAGGGTGCCAGCTCCAGCACCTCA

>trans\_c\_11663GU724876|Thellungiella halophila chloride channel A (CLC-A) mRNA, complete cds

GCCAGCAATATTTTCAATGGCAAGATTGATGAGAGTGGCAATGATCCCCGTAAGAAGTCCAACAAGACAAGC  
CAAAGTCCATTTAGAGAATATGTACTGCAACACT

>trans\_c\_11664EU555286|Solanum lycopersicum protein kinase 1b (TPK1b) mRNA, complete cds

TATCTATTAATCCCAAATAAGACCAAACATGAATGATGTTGTAAAAGAACTAGAGCAACTACAGGATTCCAC  
GTTGCCTACTAGCAACAGGAACTCAACCAATAA

>trans\_c\_11665EU922198|Geranium carolinianum photosystem II cytochrome b559 alpha subunit (psbE) gene, complete cds; chloroplast

GCCCCAATGTAGTCATCCGCCAACCAAGTACCGTCCGCTCTCCTTGCGCTGCCGTAGCGTCCGTCAAAAAGTATC  
GAATACTGGTGATAATATCAGCAAAAGAACGT

>trans\_c\_11666HM245320|Solanum lycopersicum mitogen-activated protein kinase 9 (MPK9) mRNA, complete cds

GAGCAATGGGAAGAATCAATTTATGACAGAGTATGTCGTAACCTCGCTGGTATCGAGCCCCAGAACTGCTGCTC  
TGCTGCGAGAATTACGGGACGTCTTAACCTACAC

>trans\_c\_11667NM\_001052414|Oryza sativa Japonica Group Os02g0146700 (Os02g0146700) mRNA, complete cds

TTGGTAGAGCTCCGCTCTTGACGCCAACTACCATAGCCGTAAACCAAGCACTCGGCCACTTGAATAACGGCA  
GCGACGCTCCACGTTCAAGTTAACAATCTGTCC

>trans\_c\_11668NM\_125101|Arabidopsis thaliana PSD2 (phosphatidylserine decarboxylase 2); phosphatidylserine decarboxylase (PSD2) mRNA, complete cds

AGAGTTGAAACCTGGTGTTAGACCAATTGCGCATGTGGAATGTGATGATGTTGCAGTATGTGCTGCTGATTGC  
CGACTAATGCGTAACGGACACCGGCCGTGTGAT

>trans\_c\_11669XM\_002871406|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata KNAT4 homeobox protein, mRNA

CTACAGAAGAAGACAAGGCAAGATTAGTGCAAGAACTGGTCTACAACTGAAACAGATAAACAATTGGTTCA  
TCAACCAAAGGAAGAGGAACTGGCACAGCAATCC

>trans\_c\_11670GU572186|Lespedeza japonica internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S  
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GAACAGAAATCTCCAGTAGAACGGGGAAACGGGGACTTTTCCAGCCCCAGCCCCTGACACAGGCGTGGGTTG  
CAGGGACACAATTCGCGCTAGGAAATCAGGGAGC

>trans\_c\_11671FJ590953|Dimocarpus longan cell division cycle protein gene, complete cds

CGGCTTGTTGTCGATGAGGCCATTAATGATGATAACTCGGTGGTTGCGCTTCACCCTGATACTATGGAGAAGC  
TTCAACTCTTCGTTGGCGACGTAGTGGGTGTCC

>trans\_c\_11672Novel Gene

TTGCTGAAATAAGTCTCTTTTCGGAGATCAGATAGGAATAATCTGGTTTGTCTTCAAATCTTAGGGCTCGGCAA  
TAGTGGAAGTAAGATGTAAATTCTGTAGGATA

>trans\_c\_11673FJ787730|Solenostemon scutellarioides chloroplast ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase activase (RCA) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GAGATTGTTGTTAGAAGTTCGAGCAGCCAGCAATGACACTTCAAAGCTGTTGGAGTATGGTAGCATGTTGGT  
TCAAGAACAAGAGAACGTGGGAGAAACATGGCC

>trans\_c\_11674FJ915831|Jatropha curcas aquaporin mRNA, complete cds

CAACAGCAGGGGTTGGAATATGGGAAGCATTTGTATTCGAGATTGTAATGACATTCGGTTTAGTCTACACTGT  
CTACGCCACGCCATTGATCCCATCCTCTGTGA

>trans\_c\_11675AY112530|Zea mays CL5251\_1 mRNA sequence

AATGTGATTTCTGCCCAGTGCATTCAATCCGAGAAGAATGTGAAAACATGCAACATGAGCCATGAAGTACCAT  
TTTATAATCACCTTCACAATTCATGTGTGTGGC

>trans\_c\_11676GU462128|Prunus persica beta-galactosidase 3 mRNA, partial cds

ATGTTTTTATCAATGGACAGTTCTCAGGGTCGGCCTATGGAAGTAGGGAACATCCAGAATTTACGTATACAGG  
CCCTATCAACTTACGAGCTGGAATGAACAAAAT

>trans\_c\_11677Novel Gene

GGGGCAAAAAGGAAAACAGAAAAAGAAAACAAAAAGAAAGAGTGAGGGATTTGAATGTGGAAGAGAAACCA  
AAAAACACATGCGATAATACAGAAACAGAGAGTCCG

>trans\_c\_11678DQ226922|Boechera divaricarpa isolate SLW-E-D07 mRNA sequence

TGAGCGATAAGCAAGTCGGGAGGTTGAGGGAAGAGATAAACAATTCATTGGGCATCAAGAACTTGTGTCA  
GATGATGATGAATATATTGTACGTCTAATATGTGT

>trans\_c\_11679XM\_002876588|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nucleotidyltransferase, mRNA

TCTCAGCCTTCAGTCGATGAAGGTATCCAGAACAGACCGCCCGAGGCAGCAATTCCAGTCAGTGAGGGTATA  
GATCTTTCTGAGATTGAGACAAATAGGCAAAAGA

>trans\_c\_11680Novel Gene

ATCTGTTGCTTCAACAGAGCGATCGGGAAGATAGGGTTATACGGTGGCTTCAGGCGCTAGATATGCAAGTTAT  
GGGCGCTTGTCTGGGCTGACGAAAGGTTGAAGCC

>trans\_c\_11681AY057486|Arabidopsis thaliana At1g80000/F19K16\_3 mRNA, complete cds

GCTACATATTGTTGCCTTATTTAGCTATGGATGGGGCTTATCATGCTCGACCCTCAGGACAGACATCATCTGC  
AGGAATGTTGAGACAAGAAAATAACACAAACA

>trans\_c\_11682XM\_002301363|Populus trichocarpa GH3 family protein (GH3-12), mRNA

GACTTAACGGAAGAACGGATCCTCAAAGCTTCAAGGACTGTGTCCCGCTGTTTCTCATGATGATTTGGAGTC  
ATATATTCAGAGAATTGCCGATGGGGATTCTTC

>trans\_c\_11683AY105003|Zea mays PCO095419 mRNA sequence

GAAAATTTGGATATCAAAGATTCTAATGATTAGGCATACCCCTACAATTCTTGTCTTTGCCTCAGTTCATTG  
AGTTCCGACTCAATCTCAGCATCACGAACCG

>trans\_c\_11684AJ620910|Antirrhinum majus partial mRNA for SEU3B protein, 5' end

AAGATCAAGTATCAAAGTGGTACTATGGAGGAACTACTTTATCTAGACATGCCTCGTGAATATCATAATGCAT  
CTGGTCAGATTGTCTTGGATTATGCAAAAGCGA

>trans\_c\_11685Novel Gene

AACAAGACAATATAGATCAAGATGTAAGTGATGATGATATTGCACCAGAAAATACAATAATAATCATGATCT  
AACTGGAGTTAAAGTACTCCATGGCGTAGACAA

>trans\_c\_11686NM\_124165|Arabidopsis thaliana RBOHD (RESPIRATORY BURST OXIDASE  
HOMOLOGUE D); NAD(P)H oxidase (RBOHD) mRNA, complete cds

ATTGGACAAGGAACTTAAGGATGTGTTTTAGAGGTTTGTGAGCCTCCTCAAGCTGGTAAAAGTGGACTTCT  
TAGAGCTGAGCCCCCATGAGAGACTCTCTTCCC

>trans\_c\_11687Novel Gene

AGGGGAAAGGTTTCAGTGGGAAATTTGCCAAGTCTTCTCAAGTTTCTGCTGAATCAAATGCTAACACCTCGGCT  
AGCAAACTGAGGACAAGGTGTTGTCTTTTCT

>trans\_c\_11688Novel Gene



AGTTCTATTTTCTACTGACAAATGGCTCACTCTCTTCCTTTTCTTCTATTGATTACCGTTAATTAATAGACAT  
GGAACGCAACTTTTCAGTGAGTGTACCAC

>trans\_c\_11689U09988|Glycine max Williams 82 mitochondrion NADH dehydrogenase subunit I  
(nad1) gene, exons D and E, partial cds, and maturase-related protein (mat-r) gene, complete cds

TCCACAAGACTCTTTCTCTTTTTCAGGGCTTGGGTACGAGAACATAATCTTCATCAATCCGGGTCGAAGTTTA  
GACCGCTCACAGTAGTTCGACCTATAGAAAAG

>trans\_c\_11690HM242701|Fraxinus angustifolia isolate Fangustifolia\_Hap\_51 external transcribed  
spacer, partial sequence

TTCTATCGGACTTGAGGCTCCCGGATCGGCTAAGCTACGTAGAAGGAATGAAGATAGAGGCTCGACTGATAA  
GGAGAGGAGCGAAGGTACTCGACTGATAAGGAGA

>trans\_c\_11691Novel Gene

ATAGTCCTTCGGACTCCGGACCGCTCGAAAAGACTAATTTGAGGTGCCAACTCCATCCTTCCTTCTTAAGCTCT  
TTCCCGGATAGCCTGAATAGCCATCCACCT

>trans\_c\_11692XM\_002893117|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nodulin MtN3 family protein, mRNA

TAAGAAGCAAATCGACGGAGCAATTCTCAGGCATTCCATACGTGATGACGATGTTGAATTGCCTTCTATCGGC  
ATGGTACGGATTACCGACCACACTCCCACAAA

>trans\_c\_11693Novel Gene

TCGTCCTTACCCTTGATTTTTCTCTCTAGGGTTTTCTATTTGAGCTATGATCGATGCTGATTTTCGATTTGTGTG  
GGTTTATGATTTGATTGATGGGTTTTGTA

>trans\_c\_11694AY104354|Zea mays PCO108571 mRNA sequence

CGTATGAAAGCCATCCTCAGTACATTCAGCTTTTTGTCAAAGCACTTGGAGGAAACGTCAGTGGATCAGATAA  
AAAAATTCTATTCTTTGTGGGGATTACATGG

>trans\_c\_11695XM\_002315276|Populus trichocarpa jumonji domain protein (JM1901), mRNA

AAGTAGATTCTGGGACACTGGCATGTGTGGCATGCGGTATTCTCGGCTTCCATTTATGTCTGTGGTACAGCC  
GTCAGAGAAGGCTTCAAAGGAACCTTATGTTG

>trans\_c\_11696AJ007547|Zamioculcas zamiifolia coxI gene, exons 1 and 2, partial

GCTTTGAGATCGTAAAGACTGTAATATTCCTCAATAAGGAAGAATCGTCGTGATTTATGACTTCGGAAAGTAC  
TTGATTGAAAGTAAGATAGCAGAATGAGAACA

>trans\_c\_11697XM\_002893683|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin family protein, mRNA

CATCATGGGACATCTGCTCTAGAGCATAGTCATCTCTCAATTGGTCCTCGAGCAAAATATCTTCCAAACTGA  
AGCCAATATACCTCATCCTCATCTTGGGTTT

>trans\_c\_11698X75020|P.amygdalus mRNA for phosphoglycerate mutase

ACAAGAAAGTTATGTCAGATCATGAATCATCAGCATCGAAAAATCAGACAGGGATAACTGATATTTTCATGTTT  
TCATCACCCACCGAGAGCCGAGATATCCGTTG

>trans\_c\_11699DQ118095|Vitis vinifera AlaT1 mRNA, complete cds

TAAGAGCTATGGTGATCATAAATCCTGGGAACCCAACTGGTCAATGCCTTAGTGAAGCAACCCTCGACCTATT  
CTCAAACCTTGGTTAAACTCTACTGCGGTGACA

>trans\_c\_11700XM\_002889869|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NRT1.1, mRNA

ACAACTACATCCACCTCCTTGCCATCCTATTGGCAGCAAGAACTGCAAGCAAGCAAATGGGTTTCAAATGGGA  
ATGATTTATTTGCCTCTGTATCTAATTGCTCT

>trans\_c\_11701AB206104|Mimosa pudica tip1;1 mRNA for tonoplast intrinsic protein 1;1, complete  
cds

CATTAAGGTTAAAGCAAAAACAAAATCAAGGTGGAAATAAACTCGGCCAATCCAGCCTTCAAAGCAT  
CTGGATGAGTAGCCTCTTCGGGCCTTCCAATTG

>trans\_c\_11702AL161557|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 57

CATATGGGGAAGGAGCGTTGTTGTTTTCGAGGTCTCGATCATTTACATGGACCCACTTTTCATTCCATTTGTGG  
TACGGGTGCAGCCCGCGGGTACTTTCCCCC

>trans\_c\_11703Novel Gene

TGGACCCCACTCCTCCTTCTGATGTTGTTGGTTGACGAGGGATCATTTTGCAATTTTCCTCTTTTCTATTTTTC  
TTCTTTCCCATGAAAATTAATAACCGTTT

>trans\_c\_11704XM\_001696897|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

CTAACGAGTCTGCCATTGTCACCATGAGGCCGTCTCTACCAGTCGAATCACAGCAGTGGACTCCGGTCAGTTT  
GTCGAAGCGATCTGATTTGATCATTTGCCTA

>trans\_c\_11705AL161580|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 76

ATTCCTTATTCTCCAATGTTAATGTTTCAGGAGTGCATTATGTTTATATGGATTTCTTCGTTGCACTCCTTCACA  
GTCGTTTCGCTTCTCCCTCTCCTTCCTC

>trans\_c\_11706NM\_120469|Arabidopsis thaliana electron carrier (AT5G03880) mRNA, complete  
cds

CCAGACAAATATGCTCTTGAAATTGCTGGTTTCAAGGTCAAAGAGACTTCAAAGTTAGGACCTCGCCCAGAGA  
AGCCTATTGAGATATATGAGTTTGAGCCAGAA

>trans\_c\_11707XM\_002297618|Populus trichocarpa 10-formyltetrahydrofolate synthetase  
(FTHFS1), mRNA

CTTTGGTGGGAACCATGAGTACAATGCCAGGGCTTCCTACAAGACCTTGTTTTTACGATATTGATCTCGACACT  
GCTACCGGGAAGGTAATTGGTCTTTCTTGAA

>trans\_c\_11708FJ853605|Hordeum vulgare glucan synthase-like 7 (GSL7) mRNA, partial cds

AGAGCAACTTCTGAATGCCAGGGGGACACTGAGAAGCAAGTTTAAAGATGCTATTCATCGGTTGAAGCTTAG  
ATATGGTCTTGGCCACTCTTACAAGAAGCTTGA

>trans\_c\_11709AJ404328|Nicotiana plumbaginifolia mRNA for ABC1 protein

CCGACGCCTTGTGGTAAGAATCATATCAACGACCCCCCACTCATCCAGTCTTCCTCCAGCCAATGTTTGCTTTC  
TCTCAGTTACCATGGGATTTTCTGTCTCCT

>trans\_c\_11710XM\_002308247|Populus trichocarpa nucleosome/chromatin assembly factor group  
(NFA902), mRNA

AGAGTAGAGGAGATCCTCCTCTAGGCTTCTTCTTCAGAAGTTTCTGAGTAAGGCACTTCCCTGGAAACCATTCA  
ATCTCAGTTCCAATTGCTTTCTCAAGAATTG

>trans\_c\_11711NM\_001057866|Oryza sativa Japonica Group Os03g0758300 (Os03g0758300)  
mRNA, complete cds

CAGCACCTTTGGAAATGATCTTGAGCCTACGAGTAATTGGCTGGAAGTGTGCTTCAGTATTTGCACGGTGCTT  
AGTGGATTGTTGCTTTTCACCCTTTTGATTGG

>trans\_c\_11712NM\_001058128|Oryza sativa Japonica Group Os03g0801600 (Os03g0801600)  
mRNA, complete cds

TGCAAAAGATATTCTTAAAGATCTGGTCGAGATGTGCCGTGGTATTCAGCATCCCTTACGTGGGCTGTTTTTGA  
GGAGTTATCTTTCTCAAGTCAGTAGGGATAA

>trans\_c\_11713NM\_001054550|Oryza sativa Japonica Group Os02g0730700 (Os02g0730700)  
mRNA, complete cds

CATACATAATGGTTGGAGAGCCACCAAGACCTTACTTCTCGACATTGATACTGGGAGTGACCTGACATGGGT  
TCAATGTGTGCGACCTTGCAAGTGTGGTGTAC

>trans\_c\_11714XM\_003056906|Micromonas pusilla CCMP1545 glycosyltransferase family 66  
protein, mRNA

GACCCAACATTCTTATACATTGTTTTCAACCCAGGAAGGACTGGACATCAGGGAGGTGGGGTCCCAAGATGA  
GGCATCCTGCACGATGCCTAATCAAAGATGATA

>trans\_c\_11715FJ790128|Gossypium hirsutum GID1-4 mRNA, complete cds

TGTGATTTCTGCCAGTGCGGGCTTCTCGTTTGATGTCATTATCGATCGTGCTACGAGTCTGCTTTGTAGAATT  
TATCGACCGGCCAATGGAGGGGAACCTCAG

>trans\_c\_11716XM\_002314593|Populus trichocarpa SIN3 component, histone deacetylase complex  
(SNT902), mRNA

CAGACATTTGAAGATAGAAAGGGAAGAAGGGGAATTATCTCCAAACGGAGATTTTGAAGAAGATAAATTGTC  
CAATTACGATGGGGAGCTGAAAGCTCTGCCGAA

>trans\_c\_11717XM\_002320376|Populus trichocarpa f-box family protein, mRNA

GGAGTCTTAAGCTTGGGCAGTTCCACGGAATTTGTATGGCAATCGACTCGCGGCTTGATGGAATTGCCCTTTG  
TCAAGGGCTTGAATCGCTGTTCGATCACGAACT

>trans\_c\_11718Novel Gene

TCCAGCTACTTTTGATTGTCATACCATAGCTATTTCTCCATGGATTCTGTTCGTGATCTTGTGAACTGACA  
GTTGTCTGGGCTGCAGGCACACTTATTCG

>trans\_c\_11719EF643237|Phaseolus vulgaris cultivar Jalo EEP558 gigantea (GI) gene, partial  
sequence

AAAGCAAGGTCCTGTTTCTGCATTGATTCTTATGTCTTGGCTGCTGTTTGTGCTCTTGCCTGTGAGGTCCAATT  
GTTTCCCTTTACGGCTAGGGGAAGTGATGT

>trans\_c\_11720Novel Gene

AAGTAATTCCAAATCTCTCTCAGAACCTTTCTGTTGTAGATAAATGATTAGTAGCTCTAAATCTCTGCTTTTCAA  
CATTACATTCTTATGTCAAAGGTGAGTTAT

>trans\_c\_11721NM\_126504|Arabidopsis thaliana ankyrin repeat family protein (AT2G04740) mRNA,  
complete cds

CAAGAGTTAGTAAATTTTGTGTGCACCTTCCTCTTTTCTGTTAGTTACTATTTAGTTCTTTTTATATCCATTATTT  
TTGGTAAGAAATCTTATCTTCTGCTATT

>trans\_c\_11722NM\_001066431|Oryza sativa Japonica Group Os07g0541400 (Os07g0541400)  
mRNA, complete cds

AATCACTCCTAATCCCGCGCCCGAGACTTCCTTGGCTCCAAAACCCGAAGAGAAGGCGGCAGACACGTCGAA  
GGTGGTGGAACCTGTGCACAATATAGTAGTGA

>trans\_c\_11723XM\_002889389|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 3-methylcrotonyl-CoA carboxylase  
1 (MCCA), mRNA

AGAAGATCGGATAAAGCATGTGCATATATGGCATGGGTACATCACCATCACTTTAAACAGAAGTTGGGAATT  
GATGTAGTAGATGAAGATGAATCACAGCATAA

>trans\_c\_11724Novel Gene

AATGTGCCTTATTAGTGATTATGATTATTTCTTGTTACTGTTAGCTGATTAGTTCACGATGCTCACAAATCATAC  
CTATGACTCGTGCCGGCCGGGGACGGAGT

>trans\_c\_11725NM\_001060502|Oryza sativa Japonica Group Os04g0629400 (Os04g0629400)  
mRNA, partial cds

TCTCCGACCCTGGTCGGGCAACCGTCCGACATCCCGTAGCGTTGGAGGACCGCGTCGGGAGGACGTTTGTCA  
GAAGTAATTCGCGGGATCATGCACCTTTTCGTA

>trans\_c\_11726Novel Gene

AGCTTTCGGACTACTTCCGTATTCTCTCTCACTCCATCAATCGGCTCCTTTGACATGGATGTCACACATTCAG  
TTGAAACACTGATTGACTCTACAACCTCTA

>trans\_c\_11727X07991|Cucumber (*Cucumis sativus*) ribosomal DNA spacer

TTTTTCCCGCAGCCCTCCCCTTGGCTGACCCTAGCGCGCACCTGGCCTGGCTAGGTCTAGAGTCGAATCGGAG  
CGACGAAGGGCTGAATCTCAGTGGATCGTGGC

>trans\_c\_11728BT005851|*Arabidopsis thaliana* At2g25950 gene, complete cds

GGGAGCATCGGTTAAACTCATCTGGGGATCACTTGGAAGCAACGAGGGTGATCCTGAACTGCTAGTTTTTCAT  
CCCATTACGCTGATACAAAAAATGTTTTATG

>trans\_c\_11729HM755944|*Cucumis sativus* nitrate reductase 2 (NR2) mRNA, complete cds

AGGGGCTGAGGATTTGCCAGGTGGCGGTGGGTCAAAGTACGGAAGTAGCATCAAGAAAGAGCTGGCTATGG  
ATCCGGCAAGGGACATCAACCCGATACGGTACGT

>trans\_c\_11730NM\_125214|*Arabidopsis thaliana* RPT3 (REGULATORY PARTICLE TRIPLE-A ATPASE  
3); ATPase (RPT3) mRNA, complete cds

AGTACTATTAATCGCGAGCTTCTTAAACCCTCTGCCTCTGTCGCTCTGCACCGTCACTCTAACGCTTTAGTTGAC  
GTTTTGCCTCCGTCTTAATCAGAGCACGCG

>trans\_c\_11731XM\_002866784|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* VHA-A3, mRNA

ACGAGTTTAATCTGTGCAGCATAAGTACGCTGGAATGGGCTTTTATCCGCGTTGAGATCTTGAAGTGAAGAA  
GGCCGAGATCACCGAGGTAGGAGATGGTGCGA

>trans\_c\_11732GU556683|*Polystachya vulcanica* Bytebier 954/97/1522 (EA) 18S ribosomal RNA  
gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal  
transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GCAGCTTTTCTACTCCCTTCCGGCGGCGCGCAACACCCTGAGAGGAACAGGGAAGCAGCCCGAGAGAGGGC  
GGAGTTACACGCCCGGACTTTCGATTCTCTCGG

>trans\_c\_11733XM\_002877344|*Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* SIT4 phosphatase-associated family  
protein, mRNA

AGTGTCAAAACAATGATTCTTTAGCATTTATTGATGGAAATGGCAGAAATATTGAATATGTAAATTCTGGTGAT  
GAGGGGTCCACAGAGTGGCCATAGTCGTTGT

>trans\_c\_11734XM\_002300518|*Populus trichocarpa* histone deacetylase (HDA904), mRNA

AGGACTATTATCTCCAAGGTTGTTGAAATGTATCGACCAGGTGTTATTGTTCTCCAGTGTGGAGCTGATTCATT  
GGCTGGAGATCGCTTAGGCTGCTTTAATCTC

>trans\_c\_11735X85181|*S. oleracea* mRNA for alpha-glucan phosphorylase

AATGAGCGCAGCGAGGAGGAAAGAAACGTATATTCCACGAGTTTGTATCTTCGAGGGGAAAGCATTTGCCAC  
TTATGTGCAAGCCAAGAGGTAGCACTTCCCCGC

>trans\_c\_11736NM\_001036394|Arabidopsis thaliana nucleotide binding / ubiquitin-protein ligase (AT2G33340) mRNA, complete cds

AGAAGCGGTTAATCGAGAGACACATTTTGGACTATGGGAAATGCCCTGTTACAGGCGAACCACCTTTCCATCGA  
TGACATTGTTCCACGGCCCCAGTTCCTATAG

>trans\_c\_11737NM\_001066068|Oryza sativa Japonica Group Os07g0445600 (Os07g0445600)  
mRNA, complete cds

GCGAGATTCTGGCTCAAGAATGATGGAATAACCACCTCTGGCCATCTGTTCTTGTGCAATCTTCAAATGAGCA  
AGAAAAGGATTCAATAAACCCGAAGCTATCTT

>trans\_c\_11738NM\_180285|Arabidopsis thaliana DWF1 (DWARF 1); calmodulin binding / catalytic (DWF1) mRNA, complete cds

AAGAAGGGCTGGGTGGACATCTTGGTTAATTTTCGATGGATTATAGTTATTTTGTAGTTCTCCCGTTCTCATTC  
AGTTTCTACTTCATCCAATCTCTCCTCTG

>trans\_c\_11739FJ502240|Poncirus trifoliata transport inhibitor response protein (TIR1) mRNA,  
complete cds

GGAAGAGAGACTGTGCGAGGGTGACGAGGGCTCGCTTCAAACGAAGCTCCTCGAGGGAAATCCTGCGCTTCG  
CAAAGGCTTGGATCCAAGGGTAAACGTAGCCACC

>trans\_c\_11740AY247268|Medicago truncatula AKIN betagamma mRNA, complete cds

TATATGAAAAGCTTGCTTCACAGGTAAGTCAATGTCCAAAGCTACAACCTTGCCTGACTCCGGGAGACCAGAG  
TAAACAGTATGTGTGGACAAGAAAGCAGATAT

>trans\_c\_11741NM\_001187917|Oryza sativa Japonica Group Os06g0558700 (Os06g0558700)  
mRNA, complete cds

ACCTGGACATCTCTCATGGATCTGTGTTGTATAATGTTGATGAACAACTGTTCTGAAGCCTTAATGGATGCAGA  
GTTGCAGATCAAATTCTAAGACTTGTCCAA

>trans\_c\_11742FN563103|Pyramimonas olivacea plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain M1668

AGGGTTGAAAACCTGGGGGATGAGCTGTGGGTAGGGGTGAAAGGCCAATCAAACCTCCGTGATAGCTGGTTC  
TCCCCGAAATGCGGGTCTTATACTACTGGTGTTT

>trans\_c\_11743AC183495|Brassica oleracea Contig A, complete sequence

TACTAAAGTCTTTCCTGCTTTACAGTTCAGTTGACAGAGCCCATTTAAAGCTTGCATCTGCTAAGGCTATTCTTC  
GACTATCTAAGCAATGGGATGATAAGATAC

>trans\_c\_11744NM\_001054229|Oryza sativa Japonica Group Os02g0670100 (Os02g0670100)  
mRNA, complete cds

AAGGAATTGAGGAGTGGCAGTCAGAAGTGGGCTTCTTGGGAAGACTTTCTCATCCAAATCTAGTGAACTGTT  
GGTTACTGTTGGGAGGATCACGAGTTACTCC

>trans\_c\_11745CT028262|Poplar cDNA sequences

GGAAGATGAGCGCTGCAGCAAGTTTGGGTATGATTTTGCTTTGGGATGTGGATGCTGGACTTTCTCAAATTGT  
GTTTGGGGGGTGTGGTGGTCGCGGGTGTAGTG

>trans\_c\_11746XM\_002953246|Volvox carteri f. nagariensis DEAH-box nuclear pre-mRNA splicing  
factor (splh1), mRNA

CCAAGATGAGTGCTCTCCTCTTCGAGAATAACTGCCTCAGCAAACCGTGGAGCTACAGCTGAGTAGTGTAG  
GACCCCAACTTCTTCCAGGGTCCCCCTAACC

>trans\_c\_11747AY514429|Vitis riparia splicing factor-like protein mRNA, complete cds

GAGAGGCTGAGGATGCTATCCATGCACTCGATCGGAGAGAATTTGGCCGAAAGGGCCGCAGACTACGTGTTG  
AGTGGACCAAACAAGAGCGTGGCATTAGAAGAC

>trans\_c\_11748Novel Gene

GAAGGGCGCTGGCAGTCTGCTGAAGAATTTTCATGTTCAATAGAACTGCATTTCTTGGGTTTACATCTCCG  
GTGATGTTTTTTGTAGCAGCAACCGTTGTTTT

>trans\_c\_11749XM\_002875277|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

AAGCCTTCTGGCTGGGGCTGACCTTGTGGCTTGGCTTGGTGGTGCTGCCCTTTTACTTCAAAAGTGACACACT  
CCTTTAAATGTAATATAATGACAAACGTAAT

>trans\_c\_11750NM\_119763|Arabidopsis thaliana APX5 (ASCORBATE PEROXIDASE 5); L-ascorbate  
peroxidase/ heme binding / peroxidase (APX5) mRNA, complete cds

ATCGAGAGTTATTTTTCAGCAATTCCACAAAGTAGGAGTTATCAAACCTTCAGAAAGTCCTTTGTCCATGGGCCT  
TCAAATCTGATCTGTCCTTGTGAGCTCTTC

>trans\_c\_11751X15901|Oryza sativa Japonica Group chloroplast genome

TTTTTCTAGCATTCTCGCGCTCTATATTCCATGATGGAGGTAACCTTGGTTCGTGAGGGGGTCAGTCTACTCAA  
GTCCAAACCATTAGGACCCCTTAGTGGTTCT

>trans\_c\_11752Novel Gene

TAAGACCGTATCGACATCGCTGAAACGTACAAGAGTGACGAGCTTGAGCAGGACGTATGGTAAAATCAGAGC  
ACGCCTACTAGGTGTATACGCAGCGCCCTATCC

>trans\_c\_11753NM\_001189253|Oryza sativa Japonica Group Os10g0450800 (Os10g0450800)  
mRNA, complete cds

GATGAGTGCTCATGCCGGCAGGCTGAGAGAGTTAAGAGAAACAAATCATCACGCCCATGATGGTAATGGAA  
GCGTGAATAATGGTGTATCTGGCAGGGAACACTC

>trans\_c\_11754Novel Gene

CGACAAACTAGAGAGGATTTGAACGATTTCTTAGGCCCTTATGACTCTACCATGGTGACGATTAAGAGCAAAC  
TTCACGGTGGCCACTCATTATCGTGTTTCATAT

>trans\_c\_11755AB197676|Glycine max Gm sel-1 mRNA for SEL-1, complete cds

AAGGCCGTGGAGAAAGGTGAACCAAAGTCTATGGAATTACTTGGAGAGATATATGCAAGGGGGGCAGGAGT  
CGAAAGGGATTACACCAAGGCACTTCAATGGCTA

>trans\_c\_11756CP001331|Micromonas sp. RCC299 chromosome 13, complete sequence

ACTGGAAAGACCTTACTGGCAAAGCAACTGCTGGTGAATCAGGTGTGCCTTTCATGTCTATATCTGGTTCAG  
ATTTTCATGGAGATGTTTGTGCGGTGTTGGACCA

>trans\_c\_11757XM\_002882771|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata WD-40 repeat family protein,  
mRNA

TCTGGGCATATAGCTCCTACAGAGAAACATGCTGGAAGTTTATTGGAGGGTTTTACACAACTCAGATTAGCA  
CACTTGCAGTCAAGGAAGGCCCTCCACCAAA

>trans\_c\_11758Novel Gene

CCTGCCCCGATGATGGAAAACTTATGCTGTGGAGCAACTGCATTGATTCTAATACTCTCTCTCTCTCTCTCT  
CTCTCTAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAG

>trans\_c\_11759AF519809|Lagenaria siceraria acid invertase mRNA, complete cds

CGCCAAATCGAACCCCTTATTTTCCGATTCTGTTGATGGTTCTTTCAATTGGACCAACGCTATGTTCTCTTGCA  
ACGAACTGCCTTCCATTTTCAACCTGAAGG

>trans\_c\_11760AF396830|Prunus persica ethylene receptor (ETR) gene, complete cds

AACAGATTCATTTTGCAAGTTCCAATAATGCCCATCAAGGATGTTTCCTAGCCTGATTACTGCATATGTTATGA  
ACTTAAGAGCTACATCTACGATGTATCTTGG

>trans\_c\_11761Novel Gene

AGCTCTTTCGCCGCTTCTATCCTGTTTACGAGCAAGAGATTTCAGGCTGATATCCAATCCCAACACTCAATTAA  
TAATCACAGGACTACCAAAACAGAGACTAG

>trans\_c\_11762Novel Gene

AATATTTATAGTAGAGAGGATGATAATGATTTGATGACGACGACGATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCCTGATT  
TAAACTTGATTGAAACGTATTTTTTACGAGGC

>trans\_c\_11763GU814014|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 NIC7p (NIC7p), SPS1p (SPS1p),  
SPP1Cp (SPP1Cp), EIF5Bbp (EIF5Bbp), PTC1p (PTC1p), 182394p (182394p), 97782p (97782p), RFC4p  
(RFC4p), 182392p (182392p), ALB3p (ALB3p), PSF2p (PSF2p), 182390p (182390p), 182389p  
(182389p), HDH1p (HDH1p), TOC34p (TOC34p), PDK1p (PDK1p), CGL70p (CGL70p), NMDA1p  
(NMDA1p), DRG1p (DRG1p), DLA3p (DLA3p), 522872p (522872p), LEU1Sp (LEU1Sp), SPL2p (SPL2p),  
FUS1p (FUS1p), LPS1p (LPS1p), 522875p (522875p), PKY1p (PKY1p), MADS2p (MADS2p), UBCH1p  
(UBCH1p), GCSHp (GCSHp), PR46ap (PR46ap), PR46bp (PR46bp), MTP0618p (MTP0618p), 155027p  
(155027p), OTU2ap (OTU2ap), HGRP1p (HGRP1p), UTP1p (UTP1p), MTP0796p (MTP0796p), SAD1p  
(SAD1p), and THI10p (THI10p) genes, complete cds



TGAGTGCTACAGATGGTCTAATCTCTCCTTACCTTCACCAACTGTGCTCTCGAGGAGATTACACAAGGTCAGCCG  
CCTCGCTGAGAGCCGGAGATGGGTGCTAGTG

>trans\_c\_11764DQ132634|Arabidopsis thaliana AKINbetagamma-interacting protein 1 mRNA,  
complete cds

TGCTTGATGCGAAGAAGAATTTCTTTATCGCCGATTCAATCGCTTGCATAGCTTGAAGAAGATGGATCTTCTC  
CGGCTCTTGTTTCTCGCTGTACAATTCATC

>trans\_c\_11765Novel Gene

AATCCGAATCCTAAAGAACACGGATCGATAGGCGGAAGGACCAATCCAATCTGCCGATTGCTGCTAGCATT  
CGATTGAGTCCATAGCGGGTTCGCGACGAGT

>trans\_c\_11766tpg|BK001015.1| |TPA\_exp: Oryza sativa (japonica cultivar-group) isolate  
P0410E03.4 PDR1 ABC transporter (pdr1) gene, complete cds

TTTGCAACCAGCACCAGAGACATATGAGCTTTTTGATGACATAATTCTTCTTTCTGATGGACATATTGTTTATCA  
AGGTCCTCGTGATCAAGTGCTTCACTTTT

>trans\_c\_11767GU323319|Arachis hypogaea cultivar Huayu19 CCT domain protein (CCT) mRNA,  
partial cds

TTGGTCGGGTTTCTGCATAAGCTTTTCTTGATGCGTATCGGACTGTCTTCTCGAATTTCGGTTCTTCTCTTCTC  
TCTGTACCTCAAACTCTCGCTTCTCGAT

>trans\_c\_11768NM\_111657|Arabidopsis thaliana OBE1 (OBERON1); protein binding / zinc ion  
binding (OBE1) mRNA, complete cds

AGCACTGTGCACCTGCCTGGGACCTGGATGCTTTGACAAGGGAACCTCGACTATGTTAGTAGAATATTTCTGCG  
AAGTGAGGACACCAGAGGGAGGAAGCTTTTCT

>trans\_c\_11769NM\_001189302|Oryza sativa Japonica Group Os10g0506200 (Os10g0506200)  
mRNA, complete cds

CAGGAATGGACTAATGAAGCTGTGGAGAATGAGATGGATCTTATAGTATCTGCTGTTAGATCTCTGAGGTCAC  
TGGCAAAAGAAAGCCGTGAAAGGAAACCTGGC

>trans\_c\_11770NM\_001061034|Oryza sativa Japonica Group Os05g0121600 (Os05g0121600)  
mRNA, partial cds

GCGTCACTTTCTACCGGAGAACCGGCCGTTGGGAGTCACATATTTGGGATTGTGGAAAGCAAGTCTATCTCGG  
TGGATTCGATACAGCACATGCAGCTGCTCGTG

>trans\_c\_11771L77688|Arabidopsis thaliana mevalonate kinase (MK) gene, complete cds

CTTGTGTTTCAGATTTGTGCCTGTTGAGGTGGCCATCACTTCTGAGCTTCTTGGATCTGGCTTGGGATCATC  
AGCAGCGTTTTGCGTTGCCCTATCAGCTGC

>trans\_c\_11772Novel Gene

CCGGCCGCCCTCCGCAGACTTCCCCATGAGAGAAGAAGTGTTAACTCGTGAATCCATTCTATGAAGAAATTG  
AAAAATGGAGATTCTAGGCCGAAGCATTAAAA

>trans\_c\_11773NM\_001073469|Oryza sativa Japonica Group Os12g0536000 (Os12g0536000)  
mRNA, partial cds

GGGGCAAGGACAAAGTGTTGAAAAACAGGATTTTGTGGCTGTTGAAGTTGAAATTACAAGTCATTTGAAAC  
GGTCGCTGCTGTTTTACCTGCATTACTTCTTT

>trans\_c\_11774AB353922|Oryza sativa Japonica Group SHO1 mRNA for SHOOT ORGANIZATION1,  
complete cds

CGGAAAGGGATCTAGACCTTGCACTCCGCGCCCAACCGGATCCCTGGCTGAATCTTAGCGTGAAGTGGGGTC  
AGTCCCGTTAGACTACTGACGCACACCGTAGGG

>trans\_c\_11775AJ272011|Nicotiana plumbaginifolia mRNA for oligouridylate binding protein (ubp1  
gene)

AGGGCTCAGAGTGGCTGAAAGACCAGGAGTGGAAGCAACTGCTGGTAGTGGGAGTGGGTTAGATGTTGTTC  
CTGGTGGTGTGGGTTTGCTACCCCAAGAGCACTT

>trans\_c\_11776XM\_002864696|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphofructokinase family  
protein, mRNA

AATTTATCAGGAAATTGCAAAACGTGGTCTTCAAGTTGCTGTTGCTGGAATCCCCAAGACGATTGATAATGAC  
ATTGCTGTAATAGACAAATCTTTTGGGTTTGA

>trans\_c\_11777NM\_001049782|Oryza sativa Japonica Group Os01g0532300 (Os01g0532300)  
mRNA, complete cds

GATGAGATCTAATTCGCTATCGCCCTCTCCGATGTAGAAAATACTCGAAGCGGAGGGACACTTCTTAAGAGA  
TTCTGCCCTGACATTGCCAGATGAAATCTTGT

>trans\_c\_11778NM\_179823|Arabidopsis thaliana HVT1 (HELICASE IN VASCULAR TISSUE AND  
TAPETUM); ATP binding / helicase/ nucleic acid binding (HVT1) mRNA, complete cds

AGCGTGAGGGTCGTGCAGGTCGCTGTCAGCCTGGGATATGTTATCACCTTTATTCAAAGTTTCGTGCATCATCT  
CTTCCTGATTTTCAAGTTCCTGAAATTAAGA

>trans\_c\_11779Novel Gene

TAGGGGGTTCGGTCCCCCTCGTCCCCTCACCAACTTCTTACCTTCTCCTCCTCCCCGACCTAAGCCCTCCTCTC  
ACCCCTGTTCCGACCAGAACCTAAGCGCAA

>trans\_c\_11780XM\_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

TAGTGAGGTCGACGTAGTACACGGGAGCTGTTATCCCTCTGTAGGCCTCCTCTATGGTAGAAATTTTCATGCTT  
CACGCGTGCAACAAACCCCGACAAGACGAAG

>trans\_c\_11781Novel Gene

GGGGATATCAGATAGATGTGTCATTTCTGGAGCAAATGAAGAGGAACTTGGTACACATGCCAATTTGCAGAA  
AACCGGACATGATCTCATATCTTCTGGAAAAAC

>trans\_c\_11782NM\_001053986|Oryza sativa Japonica Group Os02g0619600 (Os02g0619600)  
mRNA, complete cds

CATGTCTCCTGTGGAAACTCTGCTACTTTTCGCTTTCTTCTACGCTGGACAAGACACAGCCGGTTCTTTTACTGA  
TCCCCGCGATTCTGCTCGCGACCTTAGGAA

>trans\_c\_11783NM\_001066832|Oryza sativa Japonica Group Os07g0619800 (Os07g0619800)  
mRNA, complete cds

TTTGGAAGTTATTTTGCTATGGAAGCAGTGGTTGTTATTGAGCAGCATAGGAACCAATATTATGATCGAGTCA  
AGCCTCATGGCCCAGCTCAGCCCAATAGTCTC

>trans\_c\_11784X80854|P.sativum mitochondrion genes rps10, trnF and trnP gene

CAATGGGAAGCAAAAAACGGGAGGGTACCGCATTGGGCAGAAGACGATCCAAAAAGCGAAGGCTCACCCCTT  
CAAAGATCAAAGGAGTCAGAAGAGGAGGGATTCTG

>trans\_c\_11785AJ579911|Lotus corniculatus var. japonicus mRNA for NIN-like protein 2

AATCAATGAACATTACCAGCCTACTACTTCTAGCATGACGGACTCATCAAATGGCTCTGGCTTATTGATCCATG  
GGAGTTCATCCAGCTGTCAGAGCGAACTCCG

>trans\_c\_11786NM\_106336|Arabidopsis thaliana SEC5A (EXOCYST COMPLEX COMPONENT SEC5)  
(SEC5A) mRNA, complete cds

TAAACACTGCTTGCTTCGCAGAGTCAATTCCATTGGATTCTGTTCTGAACCTGCCAAGGCAGCTTACACTTCAT  
TTAATGCCTCTTAGGAAGGCGTAAAGCGCC

>trans\_c\_11787Novel Gene

GTTTACGTTCAATCGTATTCGGTCTCATTATTAAGCATTTGTGGCACCTCCTTCGCCCAGTTTAGGGTTAGCTAG  
CTCGATTGCAGATGAACCAGGAGAGATCTC

>trans\_c\_11788AB033334|Luffa cylindrica LcCAS1 mRNA for cycloartenol synthase, complete cds

CCAGGAAGGATGTGGTGTCACTGCCGAATGGTATACTTGCCCATGTGTTATCTGTATGGCAAGAGATTTGTTG  
GTCCTATAACGCCTATATAATCTAGAAATTCC

>trans\_c\_11789AM398207|Picea abies mRNA for TUDOR protein with multiple SNc domains (tudor-  
sn gene)

TGACAAATTTAGCAATTTGATTGGGTCACTGTACTATTCTGATGGGGAAACAGCGAAAGATCTGGCATTGGAG  
CTGATAGAAAATGGCTTAGCTAAATACGTTGA

>trans\_c\_11790XM\_002869117|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ALDH3I1, mRNA

TCTATTAAGGTTTCGTGTAAATTGGCACTTAAAGAACTCAGGCGTTGGATGGCTCCAGAAAAGGTTAAATCT  
TCAATTACCGTATTTCTTCGTCTGCTGCAAT

>trans\_c\_11791NM\_001054934|Oryza sativa Japonica Group Os02g0797700 (Os02g0797700)  
mRNA, complete cds

TGCGATCCGTTATACTCAGAAGGAAGGTTATGTCTTGAGGTGGACCGGCTATCCAGTTGGGGTTAAGGTTAAA  
GATGCTTATTATGTGTTTAACCATTTGAAATT

>trans\_c\_11792BT010331|Arabidopsis thaliana At3g62310 mRNA, complete cds

GAAGCTGTCGATCTGGATAGTCCAGATAAACGGAAGAAGATGATGGTTGCATGCACTCAGCCTCGCAGGGTG  
GCAGCAATGTCAGTTTCTAGACGTGTGTAAGAA

>trans\_c\_11793XM\_002892201|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-specific protease 2  
(UBP2), mRNA

CAAACCCCATCTGAAGGAAAGTATGCATGCTCAAACAGGGATGAGACTGAAGGCTGTAGAACTTTGGGTGGT  
GATTTGGAGAAAGGGCCTGGCAGGGAAAATGGG

>trans\_c\_11794XM\_002889184|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

AGGATGAATAGGTATGGTCTTTTACAAGGGATTTTCTAAAGTTTATGATCAACTCAGATTACCATTTCTCCGA  
AGGACACCATTTTCACACTTCCAAATTGGAA

>trans\_c\_11795EU157911|Vitis vinifera Myc2 bHLH splice variant mRNA, complete cds, alternatively  
spliced

GAAACATATCTGGAATTTGGACGTGCTTAATTCACCTTCTGAGTATTGTGTGAGATCATACCTTGCGAACGAGT  
ATTTCAATCATCAGGTTGTTTTGGTATTCTG

>trans\_c\_11796NM\_120155|Arabidopsis thaliana POR (PORCINO); binding (POR) mRNA, complete  
cds

CAATATTCTCACTCAGAAGCTCAGTACATTGAAGGACAACATAAAGTAGAAAACCATAGCTCTTCCATGTTAGA  
TTCATATTTTTTAAGAGAATACCCGTTGC

>trans\_c\_11797AY097189|Lycopersicon pennellii LA716 fw2.2 gene, complete cds; and ORF44 gene,  
complete sequence

GGTGGATCCTTTTACGGTATGGACTAAGATGAAAGGCACTAGTGAAGCTCATAACAATATAAAATCAATGGAC  
GATGCCAACTTACCTGCTGAGCCGACCGTTTT

>trans\_c\_11798AF395507|Chlorogonium euchlorum 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GTGGTAGATGAACCGGTGTTCCACACCACAGACTACTCGCACGTAAGGAATGTTACGGTTTAATCCTCGGTT  
CATCCCGCATCGCCAGTTCTGCTTACCAAAAA

>trans\_c\_11799XM\_001694094|Chlamydomonas reinhardtii O-linked N-acetylglucosamine  
transferase (OGT1) mRNA, partial cds

TAAGCCTACTTGGGGCGGTAGCATTTATCTGTACGAAAGGCCGGAAGGTACCGTTCGCCGGTGCCAGAGGTC  
CCCATTCCGAACAGCCCGGGGGGAGGCACGGTC

>trans\_c\_11800Novel Gene

AGTACACGCTTCGCGAAAGCTGTCACAATCATGAATAGGAAGATGAGAACTCCGAGACACCAAACAAATTCCC  
TAGGACTGCTATAACTCGCATAATATAAACCA

>trans\_c\_11801Novel Gene

CGCCCTTTTTGAACTAAATTCTAAAGATTGAACTACGTCTCACATCAAATCAACATAAATACAATATTAAGATAA  
GTCTAACTCCAAGAGCCAAAAGACTCTAAC

>trans\_c\_11802NM\_001051378|Oryza sativa Japonica Group Os01g0855700 (Os01g0855700)  
mRNA, complete cds

AGATTGAAGATCTTCATCTTCTAATGGATCCGGATGATTTCCTAAAGCTGAAGAATCAGCTAGCGATCAAATCA  
CTTCAAGAATCAGAAGCGAAAACCTCCTGTTT

>trans\_c\_11803NM\_115650|Arabidopsis thaliana C2 domain-containing protein (AT3G57880)  
mRNA, complete cds

AAGAAGGGTACCACCTGACAGTCCTTTGGCTCCACAATGGTATCGGTTGGATGATCGGAAAGGGGACAAGGT  
GAAAGGAGAGCTGATGTTCCGACAAGTTCGGGG

>trans\_c\_11804AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete  
sequence

CGACGCACCCCCGCCACGCAGTTTTATCCGGTAAAGCGAATGATATCTCCAGAACCCCCGGCTTTGCTAGAGTT  
GGATAAGAGTTTGAAATTTACCCATTCTTCTG

>trans\_c\_11805AY133548|Arabidopsis thaliana At1g29900/F1N18\_6 mRNA, complete cds

TCAAGCGTAGTCCCAATCCCGGAAGGTGGTGTCTTAATCCCAATATTCTTCATAGCCTGTTTAAACAACTCCCT  
ATCTTCAGCTTTCTTTATCGCACCAAGCTTG

>trans\_c\_11806AY946035|Fragaria x ananassa BEL1-related homeotic protein 30 mRNA, partial cds

GTTGTGCGGTGTACTGGTGTCCCAGCAGGCAATGGTAGGCCACCACCCTCACAAATGCTGCAAACCCAGCGTAA  
GCGACACCCCGCCAACCGTTCCAAATCTTCCC

>trans\_c\_11807Novel Gene

CGATGAGTCGGATCTCGGAACTCGTAACAGGTTCTGACGACATCCTCATTGGGTAATGGAAGACCCACCTT  
AACGGTGTGTACCCGCAAGAAGAAGTTTGCT

>trans\_c\_11808Novel Gene

GCTAGTTGCAGTAAGCCTACCTAATATTGGCCGGGATTTAACAGTATCTACGATGAAAACGATGTTCTCGATC  
ATGGAATCGCAACTTCATTGTTTGAAGTTATG

>trans\_c\_11809XM\_002866348|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATGCN1, mRNA

AAGGCGGCAGCGGCGGCGGCTGAATCACAGAATGGAGTTGATAAGTTGGCCAATGGAGTTGACGCTCTTCA  
GTTATCTGATCGGACTTGTTGACACACATCCCAG

>trans\_c\_11810Novel Gene

ACAAATATCTCTTTTCTTTTCTTTTATTCTCTCTTTTTCCTTTTCTTATTTATTTATTTAGAAATTATTGGATT  
ATTTTTCCATTCTCACCCCTAGCCC

>trans\_c\_11811AY108463|Zea mays PCO065874 mRNA sequence

TTTTCCACCTGATTTTGCTGATGACTTTCCTGTGGCAATGCAGATATCGCACAAATATAGTTTGATCTATGTGAT  
CACCAAGCTGGGGCTTGGCGGGTATATACT

>trans\_c\_11812EU274578|Garcinia mangostana elongation factor 1 alpha mRNA, partial cds

CTTGAGGCCCTTGACCTGATCCAAGAGCCCAAGAGACCGTCTGACAAACCCCTTCGTCTCCCACTTCAGGATGT  
CTACAAGATTGGAGGTTAACCTTGACAAGTG

>trans\_c\_11813AL161588|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 84

ATAGAATAGCGCTGCATATGCTAGTGCGATATACAAATGTATCCCTCTGAAGATCTGAGAGTACATCGACGGC  
TGACAAGTGTCCGGTGTGTTGGTACGCGCCAGT

>trans\_c\_11814EU496864|Helianthus annuus beta-ketoacyl-CoA synthase (KCS-2) mRNA, complete  
cds

GGTTCAGAAAGAAGATTCTCGAGAGGTCTGGTTTGGGGGAAAAGACTTACTTGCCCGAGGCTGTTATGAGAG  
TCCCGCCGAATCCTTGAAGTGGGCCAATACCTT

>trans\_c\_11815AY616074|Prototheca wickerhamii plastid 1,2-diacylglycerol 3-beta-  
galactosyltransferase mRNA, partial cds; nuclear gene for plastid product

TGTAGGTCTCATGGCCAGTCCCAAGTAGTAAAGGCAGCAACGCTGCTCCACAAGGCAATGGAATATGATACC  
AACAATCGACGGAGATTCCAAAAAGGAGCCATC

>trans\_c\_11816NM\_001188962|Oryza sativa Japonica Group Os09g0479900 (Os09g0479900)  
mRNA, partial cds

CTGGAGACTCAGACGTGAAAGAATAGAGATGACTCTCGCAAAGGATCAAGGGTGAACAATGTGTTTGGTCTC  
GTGTTATATGCGTATTCGTTCAAATTGTATCCA

>trans\_c\_11817NM\_001072023|Oryza sativa Japonica Group Os10g0577500 (Os10g0577500)  
mRNA, complete cds

GGTCCGAAGTACGACGTAGGCTCGAGATAGATATTGGTAGTATAATTTATGGCAGTGGTTAGGAGCACTAAG  
GCGGAACGCGATGCGGGCTATCGGGTTCGTTGT

>trans\_c\_11818Novel Gene

AAAATGATGATTTTGATGAACACGAACCTGGTGAAACTGATGAACACGATGATTATGAGGAGAATTTTGTACC  
CCATACGGACATATCCGCTAGCGAAGGGGTGG

>trans\_c\_11819AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete  
sequence

CGACGCACCCCCGCCACGCAGTTTTATCCGGTAAAGCGAATGATATCTCCAGAACCCCGGCTTTGCTAGAGTT  
GGATAAGAGTTTGAAATTTACCCATTCTCTCTG

>trans\_c\_11820XM\_002894413|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata regulatory particle triple-a 1A  
(RPT1A), mRNA

AGAGTAGGACACAGATCTTTAAAATCCATACAAGGACCATGAATTGTGAGAGGGACATCCGGTTTGAACCTCTT  
GGCTAGGCTTTGCCCGATAAGATGTCCCCGGC

>trans\_c\_11821DQ002406|Zea mays copia retrotransposon ji and helitron Mo17\_14577, complete  
sequence

CAGTTTCAGATGCGCCCATCGAACCAGCTGCACCTACAACCTACCGAGTCCGAGACTAAAGCAGCTGATGAATT  
CCATGCTTGGCCTCTTTCTGATGTGCTGTTTT

>trans\_c\_11822Novel Gene

TCGCCAATGGTTCTATTATTGTTGTTGTTGTTGTTGTTACTATTGTTGTTGTTGTTGTTATTATTATTGTTGTGGG  
TTTTGAACTCTCGACCTTTTGAATACCAT

>trans\_c\_11823AY104095|Zea mays PCO142246 mRNA sequence

TCGCACACCAGATTGACCACACCCACAACACAACCAAAGTCTAACCCAGACGAGATCCACGCACCAAAAATTAC  
AAATACTGATTGCGATTGCTTGAATACTGTA

>trans\_c\_11824Novel Gene

CCTCACTGTGGTCTGTTTTCTTCTTGCTCTCTTCTCTCGTGCAACTTCAACCGACAGAATCACTTCTATGGTCA  
TAGATGGGTCAAGTCGACCCAAATATCAC

>trans\_c\_11825AF369707|Capsicum annuum importin alpha 2 mRNA, complete cds

ATTGCTTCCTTTATTAGCACAGTTGAACGAGCAAGCTAAGCTTTCTATGCTGAGAAATGCTACCTGGACACTAT  
CAAATTTCTGTGAAAATGGAAACACCAAGTC

>trans\_c\_11826AB012932|Vigna radiata VCAX1 mRNA for Ca<sup>2+</sup>/H<sup>+</sup> exchanger, complete cds

TCTTCGTTTGAAGAACAAGAAGAAGGTTTGAAAGAACAGAACCCAATAGGGAATACTTCACCACATCTATCTT  
TCTTTGTGTCAGTGCTAATATTGCAATTATCA

>trans\_c\_11827NM\_120496|Arabidopsis thaliana GLU1 (GLUTAMATE SYNTHASE 1); glutamate  
synthase (ferredoxin) (GLU1) mRNA, complete cds

AACGCTTTTGCACTGGTGGAATGTCACCTGGAGCTATTTCAAGGGAACTCATGAAGCGATTGCTATTGCAAT  
GAAAGTCCGTGGTGGTCCCGCTGGCGACTTGA

>trans\_c\_11828NM\_123052|Arabidopsis thaliana CAT3 (CATIONIC AMINO ACID TRANSPORTER 3);  
basic amino acid transmembrane transporter/ cationic amino acid transmembrane transp> (CAT3)  
mRNA, complete cds

GTCCGTGGCTCAAAACACAGAAAGCGCTGCAGCTATTCCAGCAATCAGGAAGGAGATGGCAAGGGCTGGTCC  
TGAATGTTCTCTGGCAACAGTTCCAACAAGAAT

>trans\_c\_11829NM\_001186479|Oryza sativa Japonica Group Os03g0337500 (Os03g0337500)  
mRNA, partial cds

AAGCCTTGGTGTGTTTATGGCGATTTGAGCATCTCTCCTCTTTACGTTTATAGAAGCACTTTTGCTGAAGACAT  
CCAACATTCAGATACTAACGAAGAAATTTA

>trans\_c\_11830Novel Gene

TGTAGCAACATGATTACTTAAAGTTGAGTTTTGCATATGAGTAATATACAGAATGAATCTGTGGTTAGTTTGAT  
TCATAGTTGATTCACGCATACGTTTCAGGGGA

>trans\_c\_11831NM\_128981|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT2G34300) mRNA, complete cds

CGGTCGCACCTGTCCCAGCACATTGCTTCGTCAGTTCTTTCATGGCATTCCATATTCCAGCATCTTCTGCATTCT  
TCTGATAGACTGGTGTAGCAGACCACACG

>trans\_c\_11832EF063359|Solanum lycopersicum phototropin-1 (PHOT1) mRNA, complete cds

ACCTTTGGAGCTTCTTCTCTACTGTACTCGGTTAGCTCCAGAAAGCTATCAGATGCAAATATAATGGGATTGTC  
AGGCAATCTAGGATCAGTAATCACAAAGTTT

>trans\_c\_11833Novel Gene

GAAGCTGAATTTCAAGATGTGATGTTAGTTATACACCAGATGGTTTAAGATTGTGGTGTCTCCCTTTATTGAGT  
AATGCGCACGCTGTCAGACGCTTTATCACTA

>trans\_c\_11834AF331659|Ipomoea batatas starch phosphorylase mRNA, partial cds

GCATGGGACAATTGGATCAGGACTATTGCTTATACCAACCACACTGTTCTTCCTGAAGCACTTGAGAAGTGGT  
CACAAATGTGATGTGGAAGCTCTCCTTATAT

>trans\_c\_11835NM\_001068794|Oryza sativa Japonica Group Os08g0519400 (Os08g0519400)  
mRNA, complete cds

AGAGTTTCATTTCTTGAGAGCGAGATAGAATCTCTCCAGAGGGAAGGGAAATTGCATGCGGAGGAAACAACG  
GCAGAGGCTCATTCACGTGCTGGTGACGTAGAG

>trans\_c\_11836NM\_179755|Arabidopsis thaliana binding (AT2G26780) mRNA, complete cds

GAGACATCACAGAGTCTTATTGTTAATGAAGTAATGGCACGACATAGCTTGTCTCCAGAGTTTCGAACAGCTC  
TTCCGGCGTCATCCATGGCTCGAAATGCTACT

>trans\_c\_11837EU301783|Hypericum perforatum glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase A  
subunit mRNA, partial cds

ACAAACCAGCAAAGTGGTTGCATGATAATTTGGAGATGAAACATCAACATGGAGGCAACTTCAAACCGAACC  
AGATTCACTCTCTTTCATGTGAATCACCTTT



>trans\_c\_11838XM\_001702061|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GAAGACGAGCTAAGTAAATCTGAAGCTCTACGGAAAGATGAGGTTGAAAGTGTCGGGCAACCGCTGCTGG  
AAAAGAGTCAGAATTGAATTCCAAATTGGAAGAA

>trans\_c\_11839XM\_002883978|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein transporter, mRNA

AGACCCAACAAATGGCAAAGGTTGAGCCTGTATCTGCTGGGGTTCAGTATGATAGAGAGTTCATTGTGTGCTG  
TCTTGATCTTCTTTCAGGACTCGCAGAAGGTC

>trans\_c\_11840GQ256316|Microsorium punctatum voucher Zhang 4194 ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

TGGAATACAAGGAGGATTGTGTACCGATATGGTGTGTGAAGAGAATTGTTTTGTTTCGGTTTTGTTGTTTATAG  
GAATGAGCATCTATCTAGTTTTAGAGACTGG

>trans\_c\_11841AY104312|Zea mays PCO074362 mRNA sequence

TCATGATCCCACCTGGAGAACAGTCCATGGGGCGTGGAGTCTGAGATCCTCCTCCTAACTCTTTCATGTTA  
TGTGTTGTGGCATCTTGAGTAGTCGCTGCAA

>trans\_c\_11842XM\_002871694|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata VHS domain-containing protein,  
mRNA

TGAGGTGGCAGCTGAGAGAGTCTTGATGAGATGGTGAAGTTAATTGATGATCCACAACTGTTGTCAATAAT  
CGGAATAAGGCTTTCGTGGTGCCCGGATTG

>trans\_c\_11843NM\_001071968|Oryza sativa Japonica Group Os10g0567800 (Os10g0567800)  
mRNA, complete cds

GAAGGAAGATCATATCGACTACAACACCCATGGGTTGGCATAGTGAACCGATCTCAAGCTGACATAAACAAG  
AATGTAGATATGATATAACGCGAGGCATGATCT

>trans\_c\_11844EF193407|Taxus x media acidic thaumatin-like protein 10 precursor, gene, complete  
cds

GACTCTATCTTTGCCTCGTTTTGCTCAATCCACCACGTTCTTCTGCTGCTTCCACCAATCATAGGTATGCTCAAC  
AGGGAGTAACTGAGCACGAAAGGGTCTTT

>trans\_c\_11845DQ083549|Citrus x paradisi pyruvate dehydrogenase mRNA, partial cds

CAAGGAGGCCAGAGGCAAGGCAGCCCAAAGGACCAGGAAGGGACAAACTACCGGGAAGATGACCAGCACA  
AGCGCCAACATCGAAGTTCGAGTCCAAAAAAAAC

>trans\_c\_11846DQ077190|Boehmeria nivea cellulose synthase CesA1 mRNA, partial cds

CACTGAAGAATCTCCAGACAAGCTCACACTACTGACAAAGACATCAACAGGAGCTAACTGTGATGGCTCTCC  
TTCGCGATCATATCTTAGCGCAAGTCTCTCAA

>trans\_c\_11847DQ535872|Myrmecosicyos messorius trnL gene, partial sequence; chloroplast

AACGACTCTCGGCAACGGATTTTCCTCTTACTATAAATTTCAATTTTGTCTTATTGACATGTAGAATGGGACTC  
TATCTTTATTCTATTCGATCTGATTAATCA

>trans\_c\_11848EU849598|Nicotiana benthamiana subtilisin-like protein mRNA, partial cds

CTTATGAGATCACATTCACCAAAATCAATGGATTCAAGGAATCAGCAAGCTTTGGATCAATTCAATGGAGTGA  
TGGAATCCACAATGTTAGGAGTCCAATCGCTG

>trans\_c\_11849HM749440|Zea mays subsp. parviglumis cultivar 9477 ADP-glucose  
pyrophosphorylase leaves small subunit (L2) gene, partial cds

TATTCCTGTTAGCAACTGTCTCAACAGCAATATTTCCAAGATTTATGTTCTCACGCAATTCAATTCTGCTTCTCTT  
AATCGTCATCTTTCCCCTCTCCGCATAGA

>trans\_c\_11850AL161594|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 90

GGAACCATGTGGATTATGATGAGAAGAGAGAAGAGAGATCGTCGGCATTTCAGAGAATGCGTTTTCCACCA  
TTTGATGATGAGGAACCTCCACTAGGCTACCGG

>trans\_c\_11851HM359086|Triticum aestivum cultivar Suwon11 profilin (PRO) mRNA, complete cds

TCGTCAAACCTGGAAAGAGAGCCAAACACATAGCGAGAGGTCCGGTAGTGGGCTGGAAACATCTAATAATCCA  
AATTTTCAGATCGACTCTCATATTCTGTGTGAA

>trans\_c\_11852Novel Gene

ACGCGCAAAACCTTACCAGCCCTTGACATATGAACACTCCCCAAGTGAAGGCCATTTGTTGCCGGGACGCAC  
TTGTAGTACGTTAGTGATGACTAGATGTGATG

>trans\_c\_11853AC069327|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone T26G08 From  
Chromosome IV, complete sequence

CATCAAAGCCCACGCGAAAAAGTCTCATATCATATCTTACCTATTAAGCCATACGCAACAAAATTCTTTTCTCAA  
CGAGGTCCTTGCATTGATATACGAATCT

>trans\_c\_11854XM\_002307094|Populus trichocarpa shikimate kinase (SK2), mRNA

GAAAAAAAACACAAAAAAAAGTCTTGTCAAATGCACTTGGTTACTCCTTTTCTGATAGTGATTCAATTGGTGGAA  
GAAGACACAGGAATTTCCAAAGCAAGTTTAG

>trans\_c\_11855Novel Gene

TGACTTTATTCATTGATTCAGTGCTCTGGAGACCTTGAGCAGGCCTCAGTAAAGTAACAGGAATAGTTAAAGT  
TGAGGATGAGGCGGAGATAGACTTAACCAAGA

>trans\_c\_11856AB189069|Silene latifolia chloroplast rpoB, rpoC1, rpoC2, rps2, atpI, atpH, atpF,  
atpA, psbI, psbK, rps16, matK, psbA, rpl2, ycf2, ndhB, rps7 genes, complete cds

CTTGTATTAGGAGATTCTCTAGAAGAAATATGGGGTTCTGCTTCTGGTGGCAACATGCTATGGGGTGGCGGTC  
CCGTCCGCAAAACAAAATGTTATGCCCTGAAG

>trans\_c\_11857NM\_001061996|Oryza sativa Japonica Group Os05g0395000 (Os05g0395000)  
mRNA, complete cds

CCGAAAAAATGTTTCACTCCCTACTCATCATTTCCCTCCTTCTCTCTTTCCAATGCAGCTGTTCAAGATTCTG  
TGTTGCCGATCTGAAAGGTCCACAAGGGC

>trans\_c\_11858EU002222|Elaeocarpus angustifolius NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 5  
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

TCCGCTTTTATATCGCCGCCCTTACATCATGAATCTAATAGCTTTGATAGGTATAATAACAGTACTATTTGGAGC  
TACTTTAGCTCTTATCTGCCTCTATATTCC

>trans\_c\_11859X79774|S.tuberosum mitochondrion nad9 DNA

TCGGACGACATCTTCGCTCAGCCAGCATAGACTGACTACCGAAGATATTCGTGTTACTTCGTCTGCACTGGTTT  
GTACACGAATGCGTGAGTTATACCGAGTACT

>trans\_c\_11860FJ895886|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf2 (ycf2) gene, partial cds;  
chloroplast

TTAGCTTTTTTCTGTCGTTAAGGTGGAGAACTGAATCAAGAATTCTCTTTCTTTATCATCAATCGAATCACTGTT  
CGAGACCCAGGATTGGATTTTCTCATCAAT

>trans\_c\_11861CP001324|Micromonas sp. RCC299 chromosome 3, complete sequence

GTCTAATTACTCCATCTGCTTTACAATCTAACGAGTCGATTGGATATATGTTTCTGTTTCGGGCTCGATGAGTC  
CCATGCCCATCTTTGCGTCGGAATCCATTG

>trans\_c\_11862Novel Gene

ACCAACCCTCAGGAAATGGGGTTATGGAAGTGGCCGTGGAAAATCAAATAACAATAATTTGGGATCGAAGT  
CTAAGCAGGAGATGCGAGAACTTCGGCGTAATA

>trans\_c\_11863AY019067|Oryza sativa microsatellite MRG1392 containing (AT)X26, genomic  
sequence

AAATACTCTTTTTTTTAGCTTAGACCAAGGCAATGTATACATGGCTCAAGATAATCTACTTAGGGAACATAAAT  
ATACAAATAATCATTTTTATTCCGGGGTAAG

>trans\_c\_11864NM\_126147|Arabidopsis thaliana formin homology 2 domain-containing protein /  
FH2 domain-containing protein (AT5G67470) mRNA, complete cds

ACAATTATTTGATTCCATGGCTGCTCTTCCTTTCTCATCTTCCCTTTTCTCTCCAAGCCTTCCATCTATTTCCCAT  
CTCCTATTTCTCCTTCTTTTACTCCTCT

>trans\_c\_11865NM\_001055022|Oryza sativa Japonica Group Os02g0813800 (Os02g0813800)  
mRNA, complete cds

AGCTCCGACGTTACCCATCTACCCAGTGGGACTCGTGTTTCAGCATCGTCACTGACATTGGGTTTTTCAGGTTC  
TTGCCCAAATTCTGTATCATCGTCATCCACA

>trans\_c\_11866AJ609275|Cicer arietinum mRNA for leucine rich repeat protein (lrr gene)

GAAACTCTCAAGGTCAGTACATTACCCTCCGTGGCGAGTCGGAGGATCCGATCTTCGAGAAGGCCGGGAGG  
ACTGGGTATATGACGTTAGATCGGGATAATTGC

>trans\_c\_11867NM\_001068655|Oryza sativa Japonica Group Os08g0492400 (Os08g0492400)  
mRNA, partial cds

AGGTTACCTTAGATATCAAATTGAGGATCTACCTTCTAAGTTGAAGGGATGTTGTAGCGTACTAGTATCCTTT  
GGAATGGCCTGGCAGAAAAGCACTAAGCATC

>trans\_c\_11868XM\_002868156|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata UGT84A1, mRNA

CGGCGGCAGCCGTGGAGGCGATAGCGGAGAGTTTCTCGGAGTGGGTAATCAATGGGATGGAAACGGGGCG  
GAGCGTGAGTGTTCGGTCTTTCTCTCAAATCTCC

>trans\_c\_11869NM\_001066477|Oryza sativa Japonica Group Os07g0551300 (Os07g0551300)  
mRNA, complete cds

AAGGAAATATAGAAGAATTGCTCGACGATGCCATTCGAGAAACATGCAGCCTTTCAGAAGTGTTAAGATGTAT  
CAATATCAGTTTGTTATGTGTTCACACCAATC

>trans\_c\_11870AF260733|Cucurbita pepo chloroplast NADP-dependent glyceraldehyde 3-  
phosphate dehydrogenase A subunit (GapA) mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

TCCTTCTCAGTCACTGGTCTTCTCACGACTCTACACTGAAATCGACTGAAACAAGGGGCTCATCACAACAGAG  
AGGATACCGTTGAGCTCCTTCTCAGCGCTT

>trans\_c\_11871XM\_002878457|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mediator of aba-regulated  
dormancy 1 (MARD1), mRNA

AAGATGAACAACAATGACTTTCTTAGATTTTGTATACTTGCAAGAATGATCTTCAACTCACCAATGATATCTAT  
ATTACAGAGGTGAGGGGAGTTTTGTAGG

>trans\_c\_11872NM\_180601|Arabidopsis thaliana CER1 (ECERIFERUM 1); octadecanal decarbonylase  
(CER1) mRNA, complete cds

CCGAACAAGGTGTCTTTCCCCGCTGATGCTCGGGATGGCTGCTTCTATCAACTTGTTGATTGCTTCCTTCTCG  
CTTTCATGAAATATTGAAGATTGAATCTAG

>trans\_c\_11873XM\_002884875|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata methyladenine glycosylase family  
protein, mRNA

ACCCACGGTGGTTCACTCCTTCATGCAAGCCGCCGGTCTAACCAACGACCATCTCACCACTTGCCACAGGCACC  
TCCATGAGTCGCGGGGGCCGCCTTGCGGTAC

>trans\_c\_11874XM\_002315762|Populus trichocarpa sucrose proton symporter, mRNA

TATCATGATTCTAATGACTCATCATAAGTTGTTTCCTTGAATTCCAAAATATTCCTATTTTTCATTATTCCAATCA  
ATATATTCTCGGATTTTCTGGTTCCGGG

>trans\_c\_11875XM\_002876954|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata shikimate kinase family protein, mRNA

GGATCAACAGCTCCATAAAAACTAACTTGGGGAAATTACTGGCTGATGTGTTGAGATACTATTACTTTGACAG  
TGATAGTTTAGTTGTGTCCTACGATAACCTG

>trans\_c\_11876EF093797|Arabidopsis thaliana chloroplast acyl ACP synthetase (At4g14070) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TATTGAGTATTCCAAAAACCGATGGTGTGCAGATATTGAGATTCAAAATACTTCGATGCTGTCCTTGCCTGAC  
GACCACGAGGAAAATGAAGTTGACGATGGC

>trans\_c\_11877AB008846|Cucumis sativus Csf-1 mRNA, partial cds

GAGGATAGCTCTTGGGAAGAAAATTACTTGTGAAACAAAGAAGGGCATCACTTAATGATTCGATAGGTTC  
AAGCTTATGCTGGCTAAATATCTCTCTCGACT

>trans\_c\_11878XM\_003060403|Micromonas pusilla CCMP1545 flagellar outer dynein arm intermediate chain 2 (ODA-IC2), mRNA

ATTGTTGAGTGTAAGGAAACAGTATTCGTGGAGCATTTACAACATTTCGTTCTTCACAATTCGACCTGCATCGA  
GTTTCACTTTGTTTCTTGCATGTCTTCCTC

>trans\_c\_11879M81726|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons 3-5

CGAGTCGGCCATGACACACGCTGCCTAGCAGAGGCGTGGTTATCTTCAGTGGATTCTCTCTTTTCTAGTGGAT  
GCCGAACCTGCTGCCCCATTGACTAAGAAGG

>trans\_c\_11880Novel Gene

CTCTCAGGGTGTATGTTTTTTTCCAGTGTTTATCTCAATTTGGTTCATTCTAACGTTTCCAGCGCATATTAAGTCG  
TCTGCAAAGGATTCTACCAATCGCTCGG

>trans\_c\_11881NM\_001187443|Oryza sativa Japonica Group Os05g0345500 (Os05g0345500) mRNA, complete cds

TAGACGGTCTAGTTATAAGGAGCTGCAGTACATTTGTGATGGGGACAGCAATGGAGTTCTATTCTTTGCCGGT  
ACATCATATGGAGAGCACCAAGTGGGTAAATC

>trans\_c\_11882AJ238275|Beta vulgaris partial BVA-16/2 gene and promoter region, exons 1-3

GGAGTAATGAGGCCTGAACTTGTGATGAAGTCAATTGTTCCGGTGGTTATGGCTGGAGTTTGGGTATTTATG  
GTTTGATTATTGCTGTGATGTAATCCGTAAC

>trans\_c\_11883NM\_119572|Arabidopsis thaliana PAB2 (POLY(A) BINDING 2); RNA binding / translation initiation factor (PAB2) mRNA, complete cds

GAAGCTGCCTTAAAAGCTATAGAAAAGTTGAATGGTATGCTGCTAAATGACAAGCAGGTGTTTGTGGGACCTT  
TCCTTCGCAAGCAAGAAAGAGAAAGTGTTGA

>trans\_c\_11884NM\_127910|Arabidopsis thaliana XLG1 (EXTRA-LARGE G-PROTEIN 1); guanylnucleotide binding / signal transducer (XLG1) mRNA, complete cds

AGGGCAACTCGGTTTCCACTACATTGCAGTAAAATTCAAACGACTCTTCACCTCATTAAGTGGGCGGAAGTTGTATGTTTCACCCGTGAAGGGGGATCCGCCGG

>trans\_c\_11885BT024712|Arabidopsis thaliana At2g04360 mRNA, complete cds

GGTGAGAGTGCGTGGAAGGAATTTTACCAGTATTTTCAGAGAGAGCAGATTTATCCATGCCATGAGCATCGATTTCATGCTGTTATCTTCATTTGCACCGTTTTG

>trans\_c\_11886XM\_002863351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-containing protein, mRNA

GGTGGATGAGGGATTTCTCAAGAGCCGCAATGAAAGAAGCTTCATCAGAGGAATCACAGGCATTGAGCTTAGGGCAAAGGATTTAAGGTCTCGCATCTTGGG

>trans\_c\_11887GQ222070|Lilium longiflorum vacuolar sorting receptor protein mRNA, partial cds

TTTTGCTGCGCTCTGAACTAAAATCCTGCTCTGGGTCAGGAGCACAGTATCTTCCATGGTTGATGCACTGTGATTGCATTGTCTACTTAAGGTGAACGCCTGG

>trans\_c\_11888NM\_001055870|Oryza sativa Japonica Group Os03g0209500 (Os03g0209500) mRNA, complete cds

ACTAGTGATGGATATGAAGCTTCAGGTGGGGAGGACAGCGATCGAGTTCCTTCAAGGATAGTTCAACGACCAATGAGTTGGAACAACGTCTTGTATGGTTCAGA

>trans\_c\_11889XM\_002865043|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphoinositide phosphatase family protein, mRNA

GGAGTAATTGGCTTGCTGAACTACTTGCAGGATCCTATTTAATTGTCATTACCGACCGTGAGTGTGTGGGGTCTTACCCAAAATGTTTTGCTCCCGAGGCCGT

>trans\_c\_11890AF049708|Glycine max aspartokinase-homoserine dehydrogenase (AK-HSDH) gene, partial cds

GAGAGGAAATTGGTAGTTGTCTCTGCAATGGCAAAGTGACGGATATGATGTATGACCTAATTAACAAGGCTCAATCACGGGACGAGTCTTATGTATCTGCCTT

>trans\_c\_11891Novel Gene

GGTCGTTTATTGCTCGGCATTCTGTGATGTCCTCTTGAGCAACTAACAAAGCTTCTTGATCTTCCTTGCCATCAATCACCCTACTATCCATTGATGTTTCT

>trans\_c\_11892AB601118|Vitis hybrid cultivar Tam-BT mRNA for BTB and TAZ domain protein, complete cds

AGGAAACAGAGGAACCGGAGGATAAGAAAAGAGAGGAAGTTATATCTAGAGCTACACGAAGCAATGGAGTGTTAGAACACATATGTTCTGGGGAACCATGTTGC

>trans\_c\_11893XM\_002870040|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATTPS5, mRNA

TCAGCAGATCGTTGAAGTTAAACCTCAGGGTGTGACTAAAGGACTAGTTGCTGAAAGAGTTCTTCCACAATG  
ATCAGTTCTAGCGGGATGTTCACTCTTGTA

>trans\_c\_11894D45857|Glycine max mRNA for Mg chelatase subunit (46 kD), complete cds

TCCATCGACATTCAACTCGGCACAAACCCGGGAGATTTTCACCTTCAGATCCTGATCTATCTGAACAGAAGAAA  
GGGAACTCCTAGCGGACGAAATTTGTTGCT

>trans\_c\_11895Novel Gene

TCGTGATCTTTTATCCAGTTAATGCATTGTTCACTACCCCCAGTTTTGCAGTATGACTATAGATTTGGTGCAAAG  
TTGCCGTATAACGAGGGTCGCCCCTGGCT

>trans\_c\_11896Novel Gene

GAGCCTGAAGGCAAGTTCGGTTTTCAATGATCCCTCTTCAGGACTTCTTTGTTGAGACTAAGGACAAAGACTGG  
GGAAGTCCATGACTGATGAGATGCGTCAAGG

>trans\_c\_11897CT028075|Poplar cDNA sequences

ATCGTCGTTTGCGGCACGCAAGTCCTCAGGTAGTGCCTCCAAGAATGTAGGATCTATAGCATTGGCACCAGAG  
GCTTCACTACTCATACCACTTTGATCTGCCT

>trans\_c\_11898FJ561747|Vigna radiata starch synthase IIb precursor, mRNA, complete cds

ACTAAGAAGGAGAGGATCAAAGGAGAAGAATTTGTGGAGAAGGTCCTTATCTCTTCTTTATGGGAGTGCAAC  
TCAGTTACTCCTCTGTTCTGCGGACATTCACG

>trans\_c\_11899NM\_001058338|Oryza sativa Japonica Group Os03g0832600 (Os03g0832600)  
mRNA, complete cds

CTGCTTCTCTGATGACCCCTCGTTTCGATCCTCGATTTGTAGAAGCTTTCCTTCAGATTATGAATGAACTGGGG  
AACAATGGCTTCTTTTACAAGAGCGACTAT

>trans\_c\_11900AB041352|Nicotiana tabacum cig3 mRNA, complete cds

AGCAAGCTGATGATGAGGATTGCCACTTGATGGCCAAAGTGATGCTGCTTGCAGATAGTAACTGAAGCTGC  
AGTATACTCCCGATTTTTTGAATCGACATCCC

>trans\_c\_11901XM\_002871991|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata HCF136, mRNA

ACGACAAGAAAGGTTTTGTGCTCGGAAATGATGGGGTGTTACTTCAATATCTTGGATGAAGTGTTTGATTTTC  
CTCGGTTACAGAATCAGATTCTATCTATATA

>trans\_c\_11902XM\_002893561|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATINT2, mRNA

AAATTGGATCTCAAACCTTATTGTTGCTCAGTCTTCTTATCCCTAACTCAATCAATTGGGCCTTCATGGACATT  
CTTAATATTTGGATTGATTTCACTAGTAG

>trans\_c\_11903NM\_001071137|Oryza sativa Japonica Group Os10g0415600 (Os10g0415600)  
mRNA, complete cds

GCAACATCAGGTACACGCCATATGGACGTTGTAATAACAGTGTGTCCATCGGAAAGCCATGGATTAGACAGG  
AAACCATGTGAATAGAGGCCAGGAAAGAGTTC

>trans\_c\_11904AB369314|Arabidopsis thaliana PHOT2 gene, chromosome 5, ecotype: Yo-0

AGAAAGTAGCCCTTCAAATAATTGAGAGAGACCCAAAAGCTAATGATTTGAAGTGGGAAGATGGAATGCTCGG  
CCATTCAATGGGTTCTGCTAACACCCACAAA

>trans\_c\_11905XM\_002319243|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,  
ABC transporter family, mRNA

CAGGAAGTATGCCAATCCTCAGCACTCATCTCTCGGAAGAGAAGTCGGATTTGGATCGCTTGTGAAATTGATC  
GAGAAGGTCTTCCAATGAATCCTCAACCTCT

>trans\_c\_11906NM\_103587|Arabidopsis thaliana BGAL5 (beta-galactosidase 5); beta-galactosidase/  
catalytic/ cation binding (BGAL5) mRNA, complete cds

AGAGGCAATGAATTTGGTCTCTCCAACCGAAGCTACGTCTGTAGATTGGATAAAAGGATCTCTTTCACAAGGT  
CAGCGGCCCGGTCAGGTTATGTTGCTACTT

>trans\_c\_11907XM\_002315347|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

GGAAAAAAGTTCTACCATCCCTCAAGATCTCTACTTGTATGTTTTGCTTTTCCTCATTTAAGTTCTGAAACTGAA  
GAGACTGTCGATAATCACTAACCGCTGTT

>trans\_c\_11908GU292049|Gossypium hirsutum dehydration-induced 19-like protein (Di19-1)  
mRNA, complete cds

TGCGCCTGACCCATTACTTTTCATCATTTATTCTACCGTTAGCTGATGACTATGGCAGTGTTCAACCACACTTGTT  
GGCTGAATCAAGCTCCGTTCTTTGCCGG

>trans\_c\_11909FJ529193|Brassica juncea natural resistance associated macrophage protein 4.2  
(NRAMP4.2) mRNA, partial cds

GCCCAGAGAGGCAAAGCTCCATTACTCAGAATCTTAATAGCAATAGCACTCCCAATGACTTCCTGTATATCAGC  
CCCAATGAGGGCAAACCTCCGCCATGACCCA

>trans\_c\_11910EU379346|Solanum lycopersicum thiamine biosynthesis protein ThiC (thiC) gene,  
complete cds, alternatively spliced

TTATCTGGTGATGAACCAAACCTTTGATAATTATGACACCAAGTGGTCTCTCAAACATCAACCCCCGGCGGTTTCGG  
TTTGGGGTCCGGGAAGGACTGGGTTGGCGA

>trans\_c\_11911XM\_002961948|Selaginella moellendorffii GRAS family protein (PAT1-1), mRNA

AGGTCATGGTCAATGAACCCATAATCCACATCATTGATTTTCAGATTGCACAGGGTAGTCAGTATATATCTCTC  
ATCCAGGATCTTGCCAATCGGGGACTATTC



>trans\_c\_11912NM\_001065375|Oryza sativa Japonica Group Os07g0134200 (Os07g0134200)  
mRNA, complete cds

GGATGATCGACTGCGGGATATCATTACAGGGTGATTTTGCATTATTCTTCAGTTTCACTTGTTGTATGTGTGGT  
AAGCTAAAGATTCTTCTGGCAGATTCCC

>trans\_c\_11913U56419|Pisum sativum import intermediate associated protein 100 mRNA, nuclear  
gene encoding chloroplast protein, complete cds

ACAAAAGCTTCAGCAATGTGTGCTGATGGAGAGTTGAGTGATGAGGATGTATCAGCGCTGCTGAAGTTAAG  
AGTTATGCTTTGCATACCGCAACATCAGTGAT

>trans\_c\_11914XM\_002311284|Populus trichocarpa SET domain-containing protein, mRNA

ACCAAATGGAGAAGTTTGGTGGTATGGTAGCCGGAAGAGCCACCTCACAAGCATTTGCGACCACTTGACAT  
ACAAGCTCTTCATTGGATGTTGTGCTCAGCCT

>trans\_c\_11915NM\_001071752|Oryza sativa Japonica Group Os10g0546600 (Os10g0546600)  
mRNA, complete cds

AACCAGCAGATGGAGGACAAGAAGCAGAAATGGATGAAGGAAGCCCCGTGGCTGAAATGCAAGCAGATGG  
GGAAATTAGATTGAAGGGCGGGGTGGATGCCCTT

>trans\_c\_11916NM\_001060075|Oryza sativa Japonica Group Os04g0559400 (Os04g0559400)  
mRNA, complete cds

AATCAACTTTCCGGCTTCATATGAGAATGGAAAAGTGGAGCATTTTCTGCATCAGTGGATGATAGGCTTTCTTC  
GCTTTCATCAGAAGTTATGTGGTCCCATGG

>trans\_c\_11917XM\_002866076|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata heat shock protein 81-4, mRNA

GTCCATGATGAAGACACGGCGAACATACAACCTTGATGTTGTTTGGCTTCTTCTTTGTGTCAAACAGATCAAATG  
GAGCCCTCTTGGGAACAAAGAGGATGGCCT

>trans\_c\_11918AB333787|Glycine max mRNA for peroxisomal fatty acid beta-oxidation  
multifunctional protein, complete cds

GTGAGACTACACCCGTTTCAACAACATCAAGGCAAACGAGTGGGTGCTTGAGATTTGGAGCCTGTTCCGTAC  
TTGAGCCCTGGCAAATTTAAATATTTCCCTA

>trans\_c\_11919Novel Gene

ATTATTTCTGAGATAAAGAAGGGCTTTTTTCAAGCCTTTATTTTCTATTTTTTATACAATGTATCATAGTAATTAT  
CCTTTTTCAATTTGGGGAGAGATGGCTG

>trans\_c\_11920Novel Gene

TCTACTATAAACAAGTCCAACAAGGAAAGCCTAGGATAGTGGTCGGCCGGCAGAAAGCTCGCTAAGCTTAA  
TAAACATCGTAAAGAGAGAATGAAGATCTCAT

>trans\_c\_11921XM\_002878545|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata binding protein, mRNA

TGCGATCTCTGGAGCCCATCTTCATAATAGAATGTGGAGTAGGAGGCTCTGAATCTTGGATTTTCCATCCATG  
TTTTTCTCCAGATCATTAGTAGGATGACTG

>trans\_c\_11922Novel Gene

TGTACAAGTGGGCAGCGGCAGAGGCTACCATTGATTTGGTAGAATGTTTCGATCAATGAAGAAGAAGAAGAA  
GAAGAAGAAGAAGAAGAAGAAGAGAGATTGGTTG

>trans\_c\_11923AF216497|Gossypium hirsutum P-glycoprotein (CMDR1) mRNA, complete cds

TTCCATCAACTCCAATCCGTCCAAGAGATTCTTTCTCAGAGCGAAAACCTGCACCAAAGCTCGTTGTAGTGCGA  
GATAATTCTCGAGAGTACTTTATACTAGGT

>trans\_c\_11924XM\_002322091|Populus trichocarpa autoinhibited H+ ATPase, mRNA

CAAAGAAAGTATGAACACCAGTGGCAATTACGACCGCTTCGATCTCTCCTTGTTTACAAGTAGAACCAGAGTA  
TATGCCATCGCCGGGACCTTTAGTAACAGGA

>trans\_c\_11925Novel Gene

GAAGCGACCGTACTGCTTATCGCGTTGATGATGATAATTCCAAAGGCTTGGGGAGACTCCACGGATACTGTTA  
ATAAGAGAGATCCCTATTCTATTAAATCCA

>trans\_c\_11926DQ525855|Agave tequilana chloroplast glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase  
B subunit mRNA, partial cds; nuclear gene for chloroplast product

AAATGTTTCAGTTGTTGATCTCGTTGTGAACATTGAGAAGAAAGGCATCTCCGCAGACGATGTCAATGCTGCT  
TTCAGAAAGGCAGCACTACCTGGTGACTTGG

>trans\_c\_11927NM\_119875|Arabidopsis thaliana SMP2; single-stranded RNA binding (SMP2)  
mRNA, complete cds

AATATAGCTCGTAAAGCAACTTCTGAAGATACACCAGCCCCAACGGAAGAGAAAAAGCTGGCTACATGGGGA  
AGTGAAGTACCCGCGTCAAGATGGGAACACCA

>trans\_c\_11928Novel Gene

AGGCTTCAACGATGGAGTTTGTTACCAATGGTGATTGTTGATATTGTAATCTGAGTTTTCTGTTTGGCATAAAT  
GGAGTGGACTGAAAAAGACGTCAGCAGTGC

>trans\_c\_11929NM\_001160843|Arabidopsis thaliana oxidoreductase (AT1G06645) mRNA, complete  
cds

GTAGAGTTTAACCAGGAAGAGATTAGCGAGGCCGCCGATTGATTGTCGTGGCAGAAGATTCTTGGGAGTTGG  
GAAACGCCGGCATCCGCCAAACCTTTTACTCC

>trans\_c\_11930FJ102913|Pinus taeda isolate 1993 anonymous locus 2\_8021\_02 genomic sequence

AGACTCTGGACAAAGTGGGTCACTCGTCCCCTGAGATGAGCAACACAGGAACCTTGACTTTGGTAGCAAGTGA  
TGGATCTACCTCAGTGCCATAGAGGGAGGCTC

>trans\_c\_11931GQ997465|Meliosma aff. cuneifolia Moore 333 voucher FLAS:M.J. Moore 333 ATP synthase CF1 alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

AGACAAATGTCTCTTCTTTTACGAAGACCGCCCGGCCGCGAAGCTTATCCGGGAGATGTTTTTTATTTGCATT  
CACGCCTTTTGAGGGAGATTATCGGAAATT

>trans\_c\_11932XM\_002880899|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata copper/zinc superoxide dismutase, mRNA

AATTGCCGCATACACGGTCAGTCGTGGTTCAACGATGAGGAGTGGGTGAGCGTGACAACGCCTTCAACGTCG  
GAAGTTCCTTGAGGACAGCGACAGCTTTCTT

>trans\_c\_11933NM\_001074286|Oryza sativa Japonica Group Os11g0308800 (Os11g0308800)  
mRNA, partial cds

AAGAGCAGCCGGTACCACCGAAAGCTGTACAAGAAAATTCACCTGCTGCTGTTCCATCTGAACTACTAGCAAA  
TGCCAGGCTTATTTCTCAAGCACGCCACCG

>trans\_c\_11934NM\_120824|Arabidopsis thaliana pectinesterase family protein (AT5G07420)  
mRNA, complete cds

AGGGAAGAGAACCGTTGGTGTCAAGAAACCAAGCAACAAAAGCGAAGAAGTGACAGTGATGTTTAGGTCTG  
TTGTTGCTCATTCTCCTGCCACACCTATCACTG

>trans\_c\_11935XM\_002307036|Populus trichocarpa 2-dehydro-3-deoxyphosphoheptonate  
aldolase/ 3-deoxy-d-arabino-heptulosonate 7-phosphate synthetase (DHS1), mRNA

GGTGGGGATTGTGCCGAGAGTTTCAAGGAGTTTAGTGCTAATAATATTAGGGATACATTCAGGATTCTTCTTC  
AGATGGGTGTTGTCCTTATGTTTGGTGGACA

>trans\_c\_11936Novel Gene

ATAGGTGACTGGTCTGAGGTCTCTGGATGATGAGAAACCATGAAATGTACAGTTATCCCTGGCTGATCTTGGA  
CATAAATCTCATTTACACGAGTGATGTAAGT

>trans\_c\_11937NM\_001070092|Oryza sativa Japonica Group Os09g0497000 (Os09g0497000)  
mRNA, complete cds

ATGCTTCCGGCGCATCCAACGCGTGATTGCATTTCTGTCCATAGACCTTGCCGGTTTTGCTGCTCAATGGACT  
CAATAAAACTACCGGCAATATCTTTTGATC

>trans\_c\_11938Novel Gene

GAGAAGTTTGAATGTGATTGGCTTGTTGTAATTTGGATATTATTGTATGTTGTTGCGTTGTGCATGGTTGTTG  
TTTCAGGACGGCCAGCCACTTTTCTCGATA

>trans\_c\_11939XM\_002303981|Populus trichocarpa 10-formyltetrahydrofolate synthetase  
(FTHFS2), mRNA

TACCCCCCTAGGAGAAGGTAAATCCACTACTACTGTTGGACTCTGTCAAGCTCTTGGTGCTTTTCTTGACAAAA  
AGGTGGTGTGGAATTCCTATTGATTGCCAC

>trans\_c\_11940EU053896|Trautvetteria caroliniensis ATP synthase beta subunit (atpB) gene, partial cds; chloroplast

TCGCGCTCCTGGTTGCCCTACTCTCTCTCGTCCCCCATCAATTTCTTGCAGGAGCGGCTTAAGAGCCTGGC  
CCCATGGCTGCACCAACCCGCTGAAGTTC

>trans\_c\_11941Novel Gene

AATTGGAATATCCCTAGTCTAACCTTCTCTACACTCACGGGTACGTCGTAACCAGGCGTTGGGGCAGACACCC  
AACTCGCATTATAATAGCGAGAGCCAACCA

>trans\_c\_11942AJ130885|Fagus sylvatica mRNA for xyloglucan endotransglycosylase 1

AAGCAAGAGTCGGGAACACAAGCGGACCGCCTCTGGAATCCCCAAGGAATCATATTCTCGGTAGATGGAAC  
ACCGATCAGAGAGTCTGAGAACCACGAATCCT

>trans\_c\_11943AF183471|Chaetophora incrustata 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGCCCCGGAAGAGTTCTCTTTCTTCTTAAGTGTCTATCACCTGAAATCGGTTTGTCCGGAGCTAGGGTTT  
AATGGCAGGTAGAGCAGCACACCTTGTGTA

>trans\_c\_11944Novel Gene

TTTTGGATTGTTTTCTTATATCATTAGGGAAACCGAATTTGCAATTTCAATCCAAGAATCATTTATGAATTCACA  
GTCAATAGTTAAAGTTAACGGTTCCTAA

>trans\_c\_11945EU616538|Solanum tuberosum CER6 gene, complete cds

GATGTGCTTCTCTTTTCTACTGAACCACCAGCAGTTGAGGAGTCCAGTCCAAATCCAGAAATGAATGAGA  
ACAAATCAAGGGCTATTAAGGTTGTTCCCCA

>trans\_c\_11946NM\_001057949|Oryza sativa Japonica Group Os03g0773000 (Os03g0773000)  
mRNA, complete cds

ACGACAAAGCTCATTCACACGAAACGACAGTAAACCTCTCATTGCCTAAGCTCCTTCCTTAGCTTCTGCGAGA  
ACAGCCTGCAAGCGTCCATACTCAGGTCCA

>trans\_c\_11947NM\_130313|Arabidopsis thaliana CAO (CHAOS); chromatin binding (CAO) mRNA,  
complete cds

TCTGTTTGTCTTGGACTTGGGTCTGTGGAATGTGTGAGAATATTGGCGGAAGCCGGTGTGAATCTTAACCAC  
CGTGATAACAGCGGTGGGTTTACAGCTTTGC

>trans\_c\_11948NM\_115456|Arabidopsis thaliana SZF1 (SALT-INDUCIBLE ZINC FINGER 1);  
transcription factor (SZF1) mRNA, complete cds

CGGTAAAGACTACCTTGAGTGCAAGAGATTTGGATTAGAGATCCTTAACGAGCCTAATCTTTCTTGC GTTC  
GGTTAATGTTGTGACCACCACTGGTCGATG

>trans\_c\_11949NM\_001048755|Oryza sativa Japonica Group Os01g0182600 (Os01g0182600)  
mRNA, complete cds

GCCGTTAAGGCTTCTATCTCCATGGATTACTGACATCTTGCTTGCGGCACCTCTAGGCATCAGAAGCGACTACT  
TCCGTTGGTGTATGTTATAGCGGGAAAATC

>trans\_c\_11950Novel Gene

CCCTTTCTTTTCCACTCTCACTTTCCCCATTTTCTCCATCATGTGGGAATCTGAGAATGATTCTATTGCTGTTGC  
TCGAGATTACTAACCCAATATTCCCCCT

>trans\_c\_11951XM\_002879463|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata multidrug resistance-associated  
protein 2 (ATMRP2), mRNA

AGATCTTAGCTGCAATGGACACAGTGAAATGTTATGCATGGGAGAGTAGTTTTCAGTCAAAAGTACAAAGTAT  
TCGAGATGATGAGTTGTCATGGTTCCGTAAG

>trans\_c\_11952CP001575|Micromonas sp. RCC299 chromosome 8, complete sequence

CAGCGATAGGAGGCGGAATCCGGCGAGTGCGACGGGAAACCGGTGAGTTGGGGAAATTTGTGGAAGTGGG  
GAGATGGGTATGAGCGGCGAGGGCTGGCATTITT

>trans\_c\_11953Novel Gene

GTAATAAGAGAATTATATCATGGGTCAAGGATCGAGCACTAAAGGCAACAGAGTTAGTTATATAATTTGAAG  
GCACGTTAGGAAGCGAAATTACCGGGTTCTTG

>trans\_c\_11954XM\_001701358|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

GAGTCTGACATGTGTGTCTTCTTTCTTCCGTTAGTGTTTTGATGTGGGAAATGCAACCGTAACGATAAATAGTG  
CTTCTCTGTTTTGCCTATTATCTTTGTA

>trans\_c\_11955XM\_002891047|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phosphatidylinositol-4-phosphate  
5-kinase family protein, mRNA

AATGTTTATTGAGGGCTGTCCAACACGTTTGGGTTGTACGATTTTGCTGAAAGGAGCTCACAGTGATGAACTG  
AAGAGGGTTAAGTTGCAACATACTGACATTA

>trans\_c\_11956NM\_119689|Arabidopsis thaliana BSK1 (BR-SIGNALING KINASE 1); ATP binding /  
binding / kinase/ protein kinase/ protein tyrosine kinase (BSK1) mRNA, complete cds

CAATGACACCCTTGCGAAGCATCTCTTCCACTGGGAGAATCAGACCATTGAGTGGGCTATGAGATTAAGAGTT  
TAGGGCGCGCGCAGATCCGCATTGAACTTAA

>trans\_c\_11957BT008434|Arabidopsis thaliana At5g61270 gene, complete cds

GCCCCCCCCACCGTGGACTGTTGTACGCGGTGTAGGTGGGACCTCAGGAGTGCCTAAGGTACAAGAGCGTG  
AGTAATGCCTGAGTCGCAGCATCAAGGTCTGA

>trans\_c\_11958AB561034|Prasinophyceae sp. CCMP1205 chloroplast PsaA gene for photosystem I  
P700 apoprotein A1, partial cds

CCATTTCTATGCACCTGAACTACCGGGCGGGTTCTTCTCTGGGGGACTCTAGGAGACCCGCTAAATGGTGAT  
TCAACATGGATTCTACATTTTGAACCAAGC

>trans\_c\_11959Novel Gene

TCCCAAATTTTGTGCTCTTTTATTTCCATGCCATTATTATAATTGAAATTCTCGTAGCTAAGTGCCTTTTGGGCC  
GTTTGGTTGTTTGC GAATATAACCAGAA

>trans\_c\_11960FJ091603|Pinus taeda isolate 6270 anonymous locus 2\_2293\_01 genomic sequence

TGAAAGGATAGTTAAAGAAGAGAAGAAACCATCAAGTGGCGCAGCTGCACCTCCAAACTTACTTCCATGGT  
CAAATCAAATCTACGACGATAGAGTGGCACTA

>trans\_c\_11961AY110267|Zea mays CL25415\_1 mRNA sequence

CGATTTATTCTCTGGAGAAGCAACGAGTAGAAGAGTTGGGTGGCTATGTTGATGGTGGCTATCTCAATGGCG  
TTTTATCGTTCTCGAAATTCCAAAAGCCAA

>trans\_c\_11962NM\_125315|Arabidopsis thaliana sugar transporter family protein (AT5G59250)  
mRNA, complete cds

CAAAAGCTCCGTGCATGGCCAGACCAATGCCAAGGCCATAGAGAAGTCTTCCTGCCAGAAGAACCCCCAGGT  
CAGGGCTATAAGCAGTGGTAAGGCTACCAATT

>trans\_c\_11963EU399760|Zostera marina trehalose-6-phosphate synthase (TPS) gene, complete  
cds

CCAGTGATGAGATTATATACGGAAGCAACAGATGGCTCGTGCATAGAACAGAAAGAAAGTGCTTTAGTCTGG  
CATCTAGTTCGCATCAGCCTCAGTCCTAAGCT

>trans\_c\_11964NM\_001074468|Oryza sativa Japonica Group Os11g0496500 (Os11g0496500)  
mRNA, complete cds

GGTGCTCTTCGTCTGCTCAGTCCAGGCCTTCTTTTCAGATCCCAGCCAAAGGAAGAGTCGTTGAATTCGGTA  
ACATGCAGTGATCACCCGAAGGTAAAATC

>trans\_c\_11965XM\_002299868|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 14 (CPK14),  
mRNA

AAGCAATTTTCTGTGATGAACAAGCTCAAGAAACGGGCCTTGAGGGTGATCGCCGAGCATTTGTCGGTTGAG  
GAAGTAGCTGGCATAAAGGAGGCATTTGATAT

>trans\_c\_11966EU557673|Solanum lycopersicum FAS protein (fasciated) gene, complete cds

GATCTTTATCTTTCAGCTTCTTAACCATCGCTTGATACTCTGCCAGACCTTACCAGCCGACTACAAGGCTTCTT  
GGGCGCTGGCTTTGAGAAAGGAAAGGATC

>trans\_c\_11967NM\_105700|Arabidopsis thaliana UPL2 (UBIQUITIN-PROTEIN LIGASE 2); ubiquitin-  
protein ligase (UPL2) mRNA, complete cds

TATATTGATGTTGGCAGTCAAAGAAACTCATTGAAATTGCTTGACAGCTGTATCAAGAAAAGGCTTCCATGTG  
AAACAATGCATGCTGTTCTGCAGTTATGCTC

>trans\_c\_11968NM\_001072062|Oryza sativa Japonica Group Os11g0104900 (Os11g0104900)  
mRNA, partial cds

ACCCGGCTTAATATTCCCAAGCTTATACGAGCTTGTGATGAACAGCAACATTGGAAGGAACTCACATATTTGTA  
TATCCAGTATGATGAATTTGATAATGCTGC

>trans\_c\_11969NM\_001049781|Oryza sativa Japonica Group Os01g0532200 (Os01g0532200)  
mRNA, complete cds

CTTTACCAAGGGAGACTTCTCCTATTTTTCATCTTTCTGCGGTGTGCTCTGTTTACTATTCTTTTGTACTCTCTTCT  
CTTTACCACGCCATAGTTCAGCGAAGC

>trans\_c\_11970XM\_002863351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

AAGGCAATGGAGTGGTTTGAGAGAATGTATAAACTGGTTTGATGCCTGATGAGGTTACTTACTCTGCCATTT  
TAGATGTTTATGCTATGGGCTGGGGGTTTGA

>trans\_c\_11971EU741646|Glycine max cultivar JS385 glyceraldehyde 3-phosphate dehydrogenase  
mRNA, partial cds

TTTGAAGGGTGGTGCAAAGAAAGTTATTATCTCAGCTCCCAGCAAAGACGCTCCCATCAAACAACACCCTCAG  
TTACTCTTCCTTATGTTTGGTCTAGAACATG

>trans\_c\_11972AB017694|Nicotiana tabacum WREBP-2 mRNA, complete cds

GTGGGTTATAGACAGTAAATGTAGGAAGCTAGAATCTTCTTCAGGCAGATTGTGTATTATTATGCCACTTTCCA  
CAAGTGGGGTGAATTTTGGAACACAACACG

>trans\_c\_11973Novel Gene

GAATCGTCGGATTCATCGGATTCATCGACTCCGGAGAGTTCCGATATGCGACTGAGAGCCGTTGTGGTAGAA  
GCTATTATGAGGGGTACAGAACAACCGTTTCG

>trans\_c\_11974AM886168|Vitis thunbergii mRNA for DNA-binding protein (wrky7 gene)

AAGGAGGATGGTTTTTCGTCCGAGAAGAATATGGTGAAGCCGGAGTTTGGATCGATGCGGAGCTTCTCACCG  
GACGCGTTTTGGTGGACCCCAACTCTAACCCC

>trans\_c\_11975FJ132846|Pinus taeda isolate 6658 anonymous locus CL2342Contig1\_01 genomic  
sequence

AACTGAATATGTTTTACTTGGTAGAACAGACATTTTGGGATAGCCAGGATTAGAATGGAGGTCTAACCCTTT  
GAGAGGTCCTACGGGCGGGTTATTGGGCCCC

>trans\_c\_11976Novel Gene

AAAAACAACGCCACCAAAGCTGAAGTTCACAAAAGGGTATCAATAAAAACCCCTCAAAAGATCTTCCTCAGCT  
GCAAATAATCCCCTATTTTCAAAGCTTCTT

>trans\_c\_11977GQ465214|Thinopyrum ponticum x Triticum aestivum high molecular weight glutenin y-type subunit Hy1-like gene, complete sequence

AAGTTGTGGACCAATTGAGGCAGATCGAAAGGAAATACATTTCAGTTTCATCACCCATTCCACTTGATATATCCA  
ACTCAGTGGATTCTTCACTGTTGCGTCCAA

>trans\_c\_11978Novel Gene

GTCGGGGGCATTTCGTATTTACCCCTGCCTTCATAATCCCAGCCAAACCTTTTTTGTGGGGGGAGTCGGACGTT  
TCTTACTCCTAGTGACCAATCCTATCAGC

>trans\_c\_11979NM\_128448|Arabidopsis thaliana PLL4 (POLTERGEIST LIKE 4); catalytic/ protein serine/threonine phosphatase (PLL4) mRNA, complete cds

CTTCGCTACTGAAATTCAAACTACTAACAGTCAAATTCTCGTTATGCTTCTCGGGTAAGACGATCCAATCGGGT  
TCTTTAACCGGTTTAATTGGAGCCACAATG

>trans\_c\_11980XM\_002893916|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1075, mRNA

AATTTGGACTTCGATTACGGTGCTCTAGCGCAGTTACAGCATTTCTCAATTAACAATCTTGGCGATCCGTTTCATT  
GAAAGTAATTACGGTGTGCATTTCGAGGCA

>trans\_c\_11981EU096498|Cucumis sativus cultivar Jinyan 4 stachyose synthetase variant 3 mRNA, complete cds, alternatively spliced

CATTCCCATTATTGAAGGAAGTTTCAGGTCTGCCCTTCATCCTGGGACTGATGGGCAAGTCTTGATTGTGCTG  
ACTCACCGAGTGAGACGTGTGCCTACGATC

>trans\_c\_11982HM068864|Carica papaya L-allo-threonine aldolase mRNA, complete cds

CCTGCCATTGCTTGCTGGAAACAAGATAAGGTGTATTGTGTGTCAGTTGCTGAAATTTGGTGGTGAAGAACAA  
TTCTAATCCTGAAAAGACAAAGATATTAGCG

>trans\_c\_11983AY105847|Zea mays PCO081230 mRNA sequence

TGTGGATAATGAAGACAACCCATTGTTTTTGGAGAATTGGAACCATCATCTCCCAAGCTTACAGTCTCTGAAC  
TGGGTGTCTCTCCACAAATTTCAACAGAGT

>trans\_c\_11984Novel Gene

TGGAAGGTTTTTTATTGAATCATCGTGGTTCTAGTCTCTTAGATTCCAAAATTAATAAGTATCCCAGAATTGTT  
CTATTAAGGATTCAGCTCGTAGCTTTCCA

>trans\_c\_11985NM\_001052364|Oryza sativa Japonica Group Os02g0137400 (Os02g0137400) mRNA, complete cds

GGAGAACTCCAGGCAAGAGGACCATTGTTAAGGTTGGTTCTAATAGGCTTCAAGTGGTGATTGCCCTAAGTG  
GGGGAGAACTTAAATAAAACTCCACCTGTAC

>trans\_c\_11986XM\_002863253|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata NADH-plastoquinone oxidoreductase subunit 1, mRNA



AGCCTTCCTTTTAAAGAAAAATAAACCCAAAGCGCTTGGGACGCCACAAATCCAACCCCAAAAACCATATTTT  
GATTGAGCCTCAACTATTAGTTTAACCTC

>trans\_c\_11987NM\_112813|Arabidopsis thaliana LOH2 (LAG ONE HOMOLOGUE 2) (LOH2) mRNA,  
complete cds

AGACACAGCCAAGCTACGCATTGCCTGGTTGATTTTGAGGAGCTGCTATTTTCCCATGTGGTTATTTAGCATCA  
TCTGCATTGAGCGTCCATAGCGTCTCCACA

>trans\_c\_11988NM\_001125849|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein  
(AT5G37290) mRNA, complete cds

TTACCTTTGCAATGCATCAAACAAAGAAGAGATTATGAAACCAGAAGTTGTAGATGTCATCAACAGATACGCA  
GTGGCTGAGAGTGTGAGTCCCGACGGCTCAA

>trans\_c\_11989FN386386|Pyrostria sp. Mouly 600 ITS1, 5.8s rRNA gene and ITS2, specimen voucher  
P<FRA>:Mouly 600

TGTTGCGCAGGGGAGGTTGTTGGGGTCTAAGTGCAGATCGATCCTAATTTACCTCGGTTCGAATTGATCA  
GATTGGTTGCAATGCACCTGGTCTCTCGGCT

>trans\_c\_11990AY109122|Zea mays PCO066751 mRNA sequence

TTCCACTTCACAGAACGAGCATCCTTCTTCTAGCAGTGAGAAGGAAATCTTTGATCTCATGAATTTGTTTCGG  
CATTTTGGTGGCAGAACTGAGACTGCCGCG

>trans\_c\_11991AF244549|Adiantum pedatum 16S ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

TATATATAAGGCCCCGAAGGTCCCCTACTTTCTCCCGTAGGACGTATGCGGTATTAGCGTTCCTTTGAAACGTT  
GTCCCCCACTACCAGGCAGATTCCTAGGCA

>trans\_c\_11992X98739|P.sativum mRNA encoding DNA-binding PD1-like protein

GTGGCAGGATTACAGCAGAAGGGGAGGGAGAGAGTGCCAAAGACACAGTCCCTTCAGTCCGTACTTGCG  
AGGGCGGCCTCGCTTGCGTTTCACGGGCTCGCT

>trans\_c\_11993XM\_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

AGTGGACTTGTTGGAATTGATGATTGTGGATTTCTAGCTTGGCTCCAAAAGTGTGAGTCGGGTTTAGTGAAGA  
TCAATCTTAGTGTTGTGTCAACCTGACCGA

>trans\_c\_11994XM\_003060765|Micromonas pusilla CCMP1545 tso1-like transcription factor, mRNA

CCCGTGATGAATCTGTCCAACCTCGCTGAGATTGGTGTCTAACCTCGGGACGAAGTCCCTCTTGATGAACCA  
CCTTATTGTAAAAATAGAGTTAAGTGGATT

>trans\_c\_11995AY102128|Arabidopsis thaliana At1g47240/F8G22\_4 mRNA, complete cds

AGTTGGAGTTCGAAACATAGCTCGGATGGCTACTCAATAGATGAGAAAGAATGTGAAGGGACAGGTAATTCT  
GCTAATAACCCAGTGACTCCTCTGAGAGCTT

>trans\_c\_11996AF343992|Pinus catarinae internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGAACTGGGATTGCTTTGATTCTGTTCAAGCTAAATCATGGAGCATGTAATTGGTGGGAAGGGGCCTGGTTTA  
ATTCCTCGGTTCTATTCTGAAGGATTGTTTT

>trans\_c\_11997Novel Gene

TGGGTTGAAGAGGAAATTACCTGAGGACATGCAAATGGACGGCATTGTGTCTCCGAGTGATCCTAGAACCGG  
CGCCTACGAGGTTATTCCTTCATGCAGTGGGT

>trans\_c\_11998AY206862|Zea mays lycopene beta-cyclase (PS1) gene, complete cds

TGCCATCTTTCAAGTTTCTAAAACAAGCAATTCTCAAACACAGCTGTCTCAAAAGTCCGGTCCAAGAGCATTG  
TCTTCTTCTCAACTATTAATGGGAGTCGA

>trans\_c\_11999AY189040|Astrantia major 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

TTAACTTACTTTTCCGATTACTGCTTGTTCGGTGGACGTTGGCAAGTTATTATATAGATTTTCCATCATTGGGC  
GGTTCATCGACCAGAGGCTGTTCACCTT

>trans\_c\_12000XM\_001690275|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AGTGCAATCCATGCAACTGCTTTATTTCAAAGCTTTTCGATATGAGGGATGCGTCGGCCCGTGCGCCGGGCACAT  
CCTCGGCAGCCCAGGCCGCACGCTGGCGTTT

>trans\_c\_12001AF170224|Alloplectus meridensis ribulose 1,5-bisphosphate carboxylase large subunit gene, partial cds; chloroplast gene for chloroplast product

TACTACAATTCGGCGGAGGAACTTTGGGGCACCCCTGGGGTAATTACAAGTTGTAATGCTAGCCAATCTGCTA  
GAGCTCCTACGTGTGCACCTAGATCGATGAG

>trans\_c\_12002XM\_002316348|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

GGATTAGTGGATGGGGTCGGTTTCCAAGGGAAGGAGACAACAACCTTTACTGAATCCTGGAACCCTTCCTATTG  
CTATTGGTCTTTATGGCTACTGCTATTCTGA

>trans\_c\_12003Novel Gene

ATGTTCTTATTTGGACATCTTGAAACCCGATGACCGAAATACAAGAATTAAAGGACCGCGCCTATAACCGTTCT  
TAACTAACTTTGGGGCTGTACCCGAGTATC

>trans\_c\_12004DQ629325|Podocarpus macrophyllus large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence; chloroplast

AGGACCACCTGGTAAGCCTGAATACTACCTTGTGACCGATAGCGGACAAGTACCGTGAGGGAAAGGTGAAAA  
GTACCCCGGGAGGGGAGTGAAATAGTACCTGA

>trans\_c\_12005AY286332|Lolium multiflorum beta 1,3 glucan synthase (GSL1) mRNA, complete cds

AATTAAACAGTCGGATGAAGAAAAGTCCGATGCTCAACAAACGATGTTTTCCCTTGATGACGACTTCTACCAAGCATACTCTTTGACTTTGGTGTGGCTTCTG

>trans\_c\_12006XM\_002325215|Populus trichocarpa autoinhibited calcium ATPase, mRNA

AGTTCAATCATATTTTTCTCATATCCAGACTAATTTGAACCGATTAGATCCCTGCTGATGGAATATTGATCACCGGCCATTCACTTGCCATAGATAGGCTCGAA

>trans\_c\_12007AB469064|Oryza brachyantha DNA, ADH1 region, complete sequence, strain: IRGC101232

TTGACTTGTGCCAAATCATTAAACCAAACCAACAACCACAAGAAAGGCATGGGATGGACATTGCTTGAGATAAGTCAAGACTAATCTATATATATAGAGACGCTT

>trans\_c\_12008XM\_002302703|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA

CCCTCGGATCTAACACGGCTTCGAGATTCGTCTCAGAAACAAGAAAATGAAAGAAGACGCTCTCCGGACAGAGGGAATGCTGCAGAATCGAATTCACAGCCGC

>trans\_c\_12009Novel Gene

ACCCGTGATGAATCTGTCCAGTAACGGGCTTATGTTCTTAATTTGAATGATTGCCCCTAGATTAATCTGCAATTTGATATAATCACGAACTACGCCCTTCCTG

>trans\_c\_12010AF479115|Afrostyrax sp. Cheek 5007 26S ribosomal RNA gene, complete sequence

TTAAAAGGGCAGAAACCGGCTATCCGAGGCCAACCGAGGCTCCGCGGCGCTGCCGTATCGTTCCGCTGGGCGGGATTCTGACTTAGAGGCGTTCAGTCATAAT

>trans\_c\_12011AB110953|Nicotiana tabacum NtPERK1 mRNA for PERK1-like protein kinase, partial cds

AGGAAGATGGCGTTGGCAAGTCAGGAGTACGGCAGTGAGTTCAGCGAGCAAACGAGTGAGTATGGTTTGTA TCCATCTGGGTCAAGTGTATCGTTAACCACCA

>trans\_c\_12012Novel Gene

ATCAAATAGTTCTACATGATTCTATTTTCTGGGTTTCTCCAGCTAAATCTGTATTTCTTAGAGTAAAATTCTGAGCGCGGTTTGCCCCGAGACCTCCCCGG

>trans\_c\_12013AY026671|Shorea johorensis internal transcribed spacer 1, partial sequence

GTTACGGCGGTCATAGCGTGGGGGAAACGCCCGTTCCATTCCGAACCCGGAAGCTAAGGCCACAGCGCCGATGGTACTGCAACCGGGAGAAACACCTCTCA

>trans\_c\_12014NM\_123944|Arabidopsis thaliana AtRLP55 (Receptor Like Protein 55); protein binding (AtRLP55) mRNA, complete cds

TTTCCACAACCAGACAAGAGGAGGTATCTTAATCTCCTCAAAATCCATCAAGAAATCAACCTGATCACTATCAATCCCTCCCCAATTCTCCAACAACCTCTCCT

>trans\_c\_12015NM\_123342|Arabidopsis thaliana 5'-AMP-activated protein kinase beta-1 subunit-related (AT5G39790) mRNA, complete cds

TGTAGGGGAAGATTTGTCACCTGAATACACTGGAGCTTACTCTAAGTTCTCAACAACTTTAAGGCTTAGACCTG  
GGAGGTACGAAATCAAGTTCTTAGTGGATG

>trans\_c\_12016BT015028|Arabidopsis thaliana At1g43190 mRNA, complete cds

TTTGGCAAGAGATTGGAGGTCAACTTCTCAAAGCATCCTAACATTACACAAGGAGCTGATACTCATGAATATG  
CTAACTCGAACCTTAATCGTTTTAACCGAAA

>trans\_c\_12017Novel Gene

TGGAGGCGGAAGCGGCGGTGGAATGATGTAAATGGGGTTAGGGGACATTTTTGAAGCTCCCAAGTAGTAGA  
GATTAGTTGAGGGAGACGCCCTCTCAAAGAGC

>trans\_c\_12018Novel Gene

TGAGAATGCTATACTTCCAAGAACAGTCTCTCCTAATCAACAATGGTTCCATGACAACATAAACTTAGATGTTC  
ATTCACCATCTGATACTTGGGCAGCACAAA

>trans\_c\_12019Novel Gene

TCCAACGCGCTGCAGGCAGCAATTGTAACATTCTCTCGCGTGGGGGCTCGAGATACGGTCCCCAAAGAAGCCT  
TTATAGTAATTTGTAATACATACTGGTATTA

>trans\_c\_12020DQ458291|Oryza sativa (japonica cultivar-group) retrotransposon CRR3, complete sequence

AGAGCAGACTGTTATTTCAAATCCATAACCTCACCGAATCCGAGAAAATGTCAGTTGCCATTATAAGCTTCGA  
CGGTCCGGCCCATGACTAGCGCCATAGTAT

>trans\_c\_12021AY850394|Lycopersicon esculentum cultivar Heinz1706 chromosome 12 centromeric region

GTGCGTTCGTATTCATTTGAGTTGGGACTTTAAAGGTGGAGAAGTTTGTGTTGAGAATTTACCTTTTTGGTTGGT  
CTGAAATTGCAGGGGACACATCTCTCTAC

>trans\_c\_12022X57557|S.tuberosum PANT1 mRNA for adenine nucleotide translocator (also called ADP/ATP translocase)

TATGGGTGGTGTGTCTGCTACTGTGTCCAAGACAGCAGCTGCCCCATAACTCGCACAGTTTGAGAATTAAGTT  
TTAGTCCTACTCTACTAATTTAGACCTGCAA

>trans\_c\_12023Novel Gene

AGAGAGACTGAGGAGCTAAGGGGATCCATTTGAGGCGAGTCATTGCTGTTGGTTGGAGCAAGCGCAGCCGA  
AACTTGATACCTCTTCTGGTAATTCTCTACT

>trans\_c\_12024XM\_002307328|Populus trichocarpa 2-dehydro-3-deoxyphosphoheptonate aldolase/ 3-deoxy-d-arabino-heptulosonate 7-phosphate synthetase (DHS4), mRNA

AATGGAGATGCGTTTGATGAGAAGTCGAGAATTCCAGATCCTCAAAGGTTGATTCGGGCTTACTGTCAATCTG  
CAGCAACTTTGAATCTTTTGAGGGCTTTTGC

>trans\_c\_12025AF456259|Eurya alata internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S  
ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

CAATACTCCACCGTAGTCTGTGTGGACTTCATGGTCGTTTCTACTTGTTTAAGTTGAAGGGTGCCTTTGGGTTC  
TTGAAAATCGAATAGAGTTATGTGCTTTTG

>trans\_c\_12026BT000610|Arabidopsis thaliana AtP-dependent RNA helicase-like protein  
(At5g63120/MDC12\_8) mRNA, complete cds

TGCTGAAACTGGCTCTGGGAAGACTCTTGCTATCTACTTCAGCGTTAATACACATTAGTGCCAGCCTCGTT  
TATATACGTTGTCCTTGAAACAGCACAAAA

>trans\_c\_12027U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

GACTACAACACGATAACTGATCTTTTTCTTCAGAGGAATTTGATTCGTGAGGCTACTGCTTTCCTGTTAGACGT  
TTTGAAGCCAAATCTACCCATGTGAACCCG

>trans\_c\_12028Novel Gene

AGATTACCATTCGCGAGATTAGAGATACGATCGTCCTCCATGCTATATTAGTAAATCCTTCTAACCTCGGGAG  
CCTCTACTCTCCGTGTGAGACACAGATGCA

>trans\_c\_12029XM\_002882989|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata calmodulin-binding protein, mRNA

CGATAAACTTCCGAGATAAATCTGGATGGACAGCTCTTCACTGGGCAGCTTATTATGGAAGGGAGAGAATGG  
TTGCCGTTCTTTTATCAGCGGGGGCAAAGCCA

>trans\_c\_12030GU799504|Ruthalicia eglandulosa voucher H. Schaefer 06/438 (M) 18S ribosomal  
RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal  
transcribed spacer 2, complete sequence; and 25S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGGGGATTTTCGGGGATTTTATCCAGTTTGTTTTAAACGCGTTCGCGGGTCGTTTGATGTTTAGGCATCGAC  
AATGATCCTTCCGCAGGTTACCTACCATC

>trans\_c\_12031EF570176|Climacium dendroides microsatellite clde7 sequence

ATAATTTGACTATGAATGCTCAACACCCATTATCTACAGGTGGAGTGAATTATGTAGAGAATTCCAGTTTATCT  
GCAGGAGAAGAGACACTCCTTGATGTTTCT

>trans\_c\_12032NM\_121551|Arabidopsis thaliana GAUT14 (Galacturonosyltransferase 14);  
polygalacturonate 4-alpha-galacturonosyltransferase/ transferase, transferring glycosyl> (GAUT14)  
mRNA, complete cds

AAGTGTGCCGCGATGGGAACTCCCATATCATATTGGTTATTCTGCATTTCCGAAACCAACTGAGTGAATGAATT  
GGGCAGCTTTAGTCCATCGGGTATTTCTC

>trans\_c\_12033Novel Gene

CCCTGCGGATGCTAACGCAAGCTATCGATATGACTAAGCCATATGAGATTTTGTGGGAGCCATGTTATAACT  
GCTAGAATGTTTCTATTTTAAACAGAATTAA

>trans\_c\_12034DQ097721|Arachis hypogaea Cu-Zn superoxide dismutase mRNA, complete cds

CAGACACCAGGACTGTTTCCACATCCGAAGCACTAGATGCTCTTGCTATTTTATCTAGATCTGAAGGGGTTAGC  
GGGACCATGAAGCCTTCTTGTTACTAGAAT

>trans\_c\_12035FJ789956|Rosa hybrid cultivar isolate FDP1-6D NBS-LRR resistance protein gene,  
partial cds

GGTAGTTTCATAAATCTAAACTTGAAGACATGGTGAACTAATACCCACAAATTCGAGACACGAGTTACACGG  
GAAGGTGGCGTCCACGGGCGCGGGTCAAATT

>trans\_c\_12036Novel Gene

TACGAACAGAGTTTCTAATTCGGTATATATGTGCGACATACTTGATCGGAGAGCTGAGATCCTTATTAATAA  
AGCGATAGAAAAAGCGCTTGCGCCTAAAGT

>trans\_c\_12037HQ323260|Vitis vinifera hexose transporter (HT1) gene, complete cds

CGGTTGTTTCGATCTATGGTGTGACAAATGGGGAAGAAGGTTTCTTTTCTCGAGGGCGGAGTTCAAATGTT  
GATATGTCAGGTACAATAACGAAGTGGTTAA

>trans\_c\_12038NM\_127563|Arabidopsis thaliana ATP binding / cAMP-dependent protein kinase  
regulator/ catalytic/ protein kinase/ protein serine/threonine phosphatase (AT2G20050) mRNA,  
complete cds

AATGGGATGTACCCTGGCACTGCTTTCACAAGAAGTATTGGTGACTCAATTGCTGAGACTATTGGAGTTGTTG  
CTACACCTGACCGGTGGTGAAGTTCTAGTCA

>trans\_c\_12039BT010331|Arabidopsis thaliana At3g62310 mRNA, complete cds

CTAGACGTGTTGCCGAAGAGATGGATGTGACTATAGGAGAAGAGGTGGGTTACAGTATCCGTTTTGAAGACT  
GCAGTAGTGCCCGTTGGCAGAATTCATAAAC

>trans\_c\_12040NM\_112071|Arabidopsis thaliana ITN1 (INCREASED TOLERANCE TO NaCl); protein  
binding (ITN1) mRNA, complete cds

AAAGCAGAAAGACGAGTTGTGGAAATCATAAACAACTCATGTGGCTGGCTTCTGTTTGTACTTCGGTGGCAT  
TCATGGCATCATCGTACATCGTGGTCGGTAG

>trans\_c\_12041XM\_002319243|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,  
ABC transporter family, mRNA

CAGGAAGTATGCCAATCCTCAGCACTCATCTCTCGGAAGAGAAGTCGGATTGGATCGCTTGTAATTGATC  
GAGAAGGTCTTCCAATGAATCCTCAACCTCT

>trans\_c\_12042FJ708669|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

GGAACGAGAACTTCTCGTCTACGAGTATATGCCTCAAGGTACTCTTAGCAGACATCTTTCAACTGGCCAGAC  
TCCTTCGGTTTTGGAAACCCGTTTGTTC

>trans\_c\_12043Novel Gene

CAGTAGCCTTCGTTGATGGTGAGATAGATCGTCAGATCGTAAGGCCTGATTCAAGATTGATGGATTCTTGA  
CTTTGACATGTACCACTCTGAAATCAAGGAA

>trans\_c\_12044Novel Gene

TTGACGGGTGTGTGACTCTGCTGTTAATTAGGGTTTAAGTCTGCTGACACAGCCAATGATCGGATGACTACTT  
CATATGGTATCGTATCGTCGATGATCGTAAA

>trans\_c\_12045Novel Gene

TACTTCAACTGGAATCTGCAATAGAGAAGTCAACGTCACAGCATCAAGAGCTGGAGAAGGAGCTGAAAACCA  
CAATTGGGAACCATTGACTCACACTTCCCATC

>trans\_c\_12046GQ998680|Quercus nigra voucher FLAS:M.J. Moore 311 photosystem I P700  
apoprotein A2 (psaB) gene, complete cds; chloroplast

TAAGGTATAGGTGAGCCTCTTTTCGAGACGTCCTTACCGCTGTACCTGATTTACAGAGTGACAAGCCAAGGAA  
CTTACTCCGAATAGTCCTGACAAATGATGAT

>trans\_c\_12047DQ169030|Solanum havanense isolate LB642 granule-bound starch synthase gene,  
exons 3 through 11 and partial cds

CTTCAATTTACTTCCAGGTATTAACCATCTTTCGGTTCTTGTTGAATCTACCTGTTTTTCTGGCTTTTTCTTTGTGG  
TTTTACATGGGTTTTGCTTGAATCGA

>trans\_c\_12048AF127240|Nicotiana tabacum cultivar Xanthi arginine decarboxylase 1 (ADC1) gene,  
complete cds

AGTCCAAAGGGTGATAGCCGTAGTCCTTCTGGATCTCGTTCACGGTCGTATAGTCCTCGCTGATAGAGTTTTG  
GAATTGTGCGGTGATTCTGCACGTCAGTCAG

>trans\_c\_12049X64392|H.annuus SF3 gene for transcription factor SF3

CAAGTGCTGCCATGGCGGATGTACAATCAGCCCATCAAACCTACATTGCACATGAAGGACGACTTTACTGCAAA  
CATCACCATACCCAACTCATGTTTCTCTTTC

>trans\_c\_12050AB276020|Physcomitrella patens PpPPR\_20 gene for pentatricopeptide repeat  
protein, complete cds

TGAGAGGAGCCGATGCAATTTTCATATGGAAGATGACACGCACAAATCGAGAAATGGTCCACGCCTTGCCCG  
TACAGCAGCCTCTTACACAGTCACACTCACAC

>trans\_c\_12051NM\_001070432|Oryza sativa Japonica Group Os09g0556200 (Os09g0556200)  
mRNA, complete cds

AGGCTCATCCAAGGTACAGCAAGGCGTTGTTGAAGAGAGCAAGGTGTTACGAGGCTTTGAATCGGTTTGATT  
TGGCGTTGAGAGATGTCAATACACAAAACCTCG

>trans\_c\_12052XM\_002308247|Populus trichocarpa nucleosome/chromatin assembly factor group  
(NFA902), mRNA

AGCAATGAAGAACAATGAAGTATTAGCTGAGGAGATTACCGAGCGTGATGAAGGAGCACTCAAATACTTGAA  
AGACATCAAGTGGTGTAGAATAGATAATCCCA

>trans\_c\_12053DQ154009|Glycine max lethal leaf spot 1-like protein mRNA, complete cds

GATGGGTGTGGATCTTGTGTTAAATTCCCCAGGCATCATCAGAAGGCCAGAAATCTCGAGCTCATCAGTCAC  
CTAGAGCATGTGCCACAAGGTTTCCTACTC

>trans\_c\_12054NM\_001057055|Oryza sativa Japonica Group Os03g0570800 (Os03g0570800)  
mRNA, complete cds

ACTCAAATCTTTTCTGGCCACCTCGGTAACCTCGAACTCGCCGCTTCTTCTCTCGGCAACAATGGCATTCAAATA  
TTCGCCTACGGCCTCATGTTAGGGATGG

>trans\_c\_12055Y15108|Glycine max tufB2 gene

CAGATGTGTTTTCTGAAGGAGTCAACACATACACAACTGCACTAACTTGGTATGTGGGGTGATAGTGCCAGG  
CTTGGCTAAAACCATCCCTCTTTGGATATC

>trans\_c\_12056NM\_179798|Arabidopsis thaliana ftsh3 (FtsH protease 3); ATP-dependent  
peptidase/ ATPase (ftsh3) mRNA, complete cds

ACTGTGAGATTTTACCTATTAACCTGTTTCGGCAGCACGGCCACCGAGGGTCATGCATGTCATATCAAATAG  
TTGTTTCCTTGGTCATGAGAAGATTTTCATT

>trans\_c\_12057NM\_101166|Arabidopsis thaliana MATE efflux family protein (AT1G12950) mRNA,  
complete cds

TCCTTATTTTCGAGTGATTGAGCCGTGAGAGAAATTGTGAAGAGCCTAACTCCTATGCTTGGTTTCTGCATTGT  
CGTCAACAATATCCAACCCGTTCTATCTG

>trans\_c\_12058NM\_115323|Arabidopsis thaliana GR (GLUTATHIONE REDUCTASE); ATP binding /  
glutathione-disulfide reductase (GR) mRNA, complete cds

GAATGAGCCTACAAAACCTAGCTATAGTGCCGTTCTTGTGCTGTTTTTTCCAGCCACCAATTGGAATAGTTG  
GACTTACCGAAGAGCAGGCCATGTGGACC

>trans\_c\_12059AY770495|Oryza sativa (indica cultivar-group) iron-superoxide dismutase (Fe-SODb)  
mRNA, complete cds, alternatively spliced

AGCCATGGCGTTCGCTCTCGGAGGATCTTCTCAACTGCGATCTTGGCCTCTCGATCCCTCTTCTCCCTCCCC  
TCCCGTCAAGGACCCTCTTCTCTCTG

>trans\_c\_12060X77499|Arabidopsis thaliana Candbergis AAP3 mRNA



CAAAAACAAACAAACAAACAAACAGGGACTGTATGGACGGCGAGTGCTCACATAATTACAGCTGTTATCGGC  
TCCGGTGTCTATCATTGGCTTGGGCCAATT

>trans\_c\_12061M37430|Pea Chloroplast 4.5S, 5S, 16S and 23S mRNA

GTAGAGTTTAACCACCAAGTTCGGGATGGATTGGTGTGGTTCCTCTACGCTCGGCCTACCCATCGGGTATTATT  
GGGCCCAAGGGAACCGGCCCTTATCCTT

>trans\_c\_12062NM\_001123817|Arabidopsis thaliana SWAP (Suppressor-of-White-APricot)/surp  
domain-containing protein / ubiquitin family protein (AT1G14650) mRNA, complete cds

AAGATTGCCGGTGAGATCCAGCTTCCAGCAAACAAACAGAAGTTGAGTGGCAAACCTGGCTTCCTCAAGGAC  
AATATGTCGCTTGCTTATATGTTGCAACTCT

>trans\_c\_12063AB378634|Lotus japonicus LjERF16 mRNA for transcription factor AP2-EREBP,  
complete cds

ACAACAACAACAAAATCCCCCTGCACTTAGTGGCATAGATGATATGCATGGGACTGAACATTTTTTGAATCCAA  
TGAATATTGAAGGTAGTCTTCACACTCAG

>trans\_c\_12064NM\_100276|Arabidopsis thaliana VPS2.3 (VACUOLAR PROTEIN SORTING-  
ASSOCIATED PROTEIN 2.3) (VPS2.3) mRNA, complete cds

CAAGCAAAAGTCATTAGAGAATTTTCAAGCAGTCTGCACAGATGGATATGACTACGGAGATGATTTTCAGAT  
GCTATAGATGATGCTCTGGATGATGATGAGC

>trans\_c\_12065NM\_001061664|Oryza sativa Japonica Group Os05g0299300 (Os05g0299300)  
mRNA, complete cds

AAGTGAAAGTAGAATTTTCAAGGAGACATTTTTGGGCCACACAAGTCCAATCAGCCGTTGCCGTTTTTCTGCATCC  
GGAAACAATGTAGCAAGTGCTTCTTTGAG

>trans\_c\_12066FJ388886|Medicago truncatula plastid carbamoylphosphate synthetase large  
subunit (CPSI) mRNA, complete cds; nuclear gene for plastid product

GACGTTCTGGATCCACTTCCACAGCATTTTCAAGGTAAGTCACTAGTTTATCATCACTATACACAATTTCCATTG  
CCCGACCACCTAGAACATAAGAAGGTCG

>trans\_c\_12067FJ895886|Cynomorium songaricum voucher JLI 5941 Ycf2 (ycf2) gene, partial cds;  
chloroplast

TCAATCGAATCGCTTTTTCGAGAAATACGAGACATCTAAGTCATACAAGTAAAGAGATATATTCATTGATAAG  
AAAAAATGTGAACGGTGATTGGATTCTACA

>trans\_c\_12068Novel Gene

CTGAGTACGGCGGAACACGTGACGCCTTACTAAGGCTTAAAGAAGTTGCTCTTTGGAATCGGGCGTCTTTCTGA  
CAGTTAGCGACAGGTTGACGTTACAGAAAG

>trans\_c\_12069NM\_121258|Arabidopsis thaliana dihydropyrimidinase / DHPase /  
dihydropyrimidine amidohydrolase / hydantoinase (PYD2) (AT5G12200) mRNA, complete cds

CCTTTCTTTGGATATATATTGAAAATCCTAGCACATTCCGTGCTTGTGATTGGAACATAATCACGGACAGATATT  
TGACCAGATTCCACCATTGTATTCCATA

>trans\_c\_12070Novel Gene

CAACTCATCAAGTTCCCATTTGATTATCCTAGGTGTGTTCTTTTCGTGAACGGTAAGCAACCAATAATCCCCGTA  
GGGCTTTTGCAGGCCAGCTTATATTTA

>trans\_c\_12071AC007627|Genomic Sequence For Arabidopsis thaliana Clone F15F15, Chromosome  
V, complete sequence

TCAGTTTTGTCCCTCTCACCTTGTGCAACCACTTTCTATTATCTTCCTTGGAGAGACCAGCAGATAAACCCAGCA  
TTTCGAAAACCACTTGTTGAAACTCGGC

>trans\_c\_12072NM\_111515|Arabidopsis thaliana CHR11 (CHROMATIN-REMODELING PROTEIN 11);  
ATP binding / DNA binding / DNA-dependent ATPase/ helicase/ hydrolase, acting on acid> (CHR11)  
mRNA, complete cds

AAAGATAGCACCATCACAGACGAGGACATTGACAGAATCATTGCAAAGGGAGAAGCAGCAACAGCAGAGCT  
TGATGCAAAGATGAAGAAATTTACTGAAGATG

>trans\_c\_12073NM\_001085018|Arabidopsis thaliana DHS2 (3-deoxy-d-arabino-heptulosonate 7-  
phosphate synthase); 3-deoxy-7-phosphoheptulonate synthase (DHS2) mRNA, complete cds

TGTGCACCATCAAGTTGTCTAGTTCGTTCTCCAACCCAAAGCATGTGAGCCGAGCAGTCATAGTAAAGCCCAG  
AAGTGGAATCCTCCCTAGTAAGTGCTTGCT

>trans\_c\_12074U92504|Brassica rapa PSI-H subunit (psaH) mRNA, complete cds

ACAGCACCAGCCTTGAAGTTTTTGGTCTGAAGCTCTGGCGAGATGGTCACTCACCCGTTTTGTCGATGCGTTA  
AGTCGTCTGCAAAGGATTCTACCAATCAA

>trans\_c\_12075XM\_002865020|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GTP binding protein, mRNA

AGGGGGGGGAGACCCAACAATTTCTGTCTGAATAAAATCTTTTGACCCGGTCTACTCTTGTAGCTCACCACATT  
CACCTGACATGCATAAGGAACTTCATTGC

>trans\_c\_12076FJ223569|Galega orientalis DNA-binding protein (RAV) mRNA, complete cds

GAAGGTTTGGCGGTTCCGGTACTCGTATTGGAACAGCAGCCAGAGCTATGTGTTGACCAAAGGATGGAGCAG  
ATTCGTCAAAGATAACACTCTCAGAGCTGGA

>trans\_c\_12077AY104185|Zea mays PCO101622 mRNA sequence

TCAGCACATTTCTTGAGTGTCCAGATCATTGGTGCATGCAGCAGAACCTCCCTGGGCCTTGGGACCTCTGTG  
GCACCGCACCGGTGTAGGTCGAGTTATTGA

>trans\_c\_12078Novel Gene

TGTTCCCCGGAGTGTATACTGTTTTTTAGGTCAAATGATTACCATTTTGTAAATTAATGAGCTTACATAGTGGTC  
TTAGTAAAACAAAACAGCGGATATCATA

>trans\_c\_12079AF314924|Phaseolus vulgaris NADH glutamate synthase precursor, mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

GGAATGAAAGGTTTACGAGCTACATGGCCCTGGTACACTCCCGGTTCTCAACCAACACTTTTCCTAGTTGGGAT  
CGTGCTCAGCCTATATACATTTTGCCGGT

>trans\_c\_12080FJ425756|Lecanorchis nigricans voucher Yukawa s.n. (WIS) 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

AACCCGGGAAGTGGTCACCCTCATAGACCACTGAAAATCTGAGTTTTCGAGAGTTCTTTTGCAGAGGCCATAG  
CTAGTTAGCAGGCTGAGGTCTCGTTCGTTA

>trans\_c\_12081Novel Gene

AAAAACAAGATTTTTTAAATATGCTGTCTATAAAAAAAAAAAGTTTTGAATCTGAAACTGCTATTGTGTCGATA  
GATAAATCATCTGATCTTAGATTGTACAC

>trans\_c\_12082XM\_002515518|Ricinus communis palmitoyl-acyl carrier protein thioesterase, mRNA

CCAAAATCTTCTCTCGTGGTTTGCAAGTTAAGGCAAGTGCCCAAGCTCCTCCAAAGATAAATGGTACTTCTGT  
TGGAATTGAGGGTGTCAAGTTTGACGATC

>trans\_c\_12083AB023462|Arabidopsis thaliana ChiB gene for basic endochitinase, complete cds, isolate:Ci-0

CCAGGAGGGTGTGATCACCTCGCTTATCTCTTTGCAACCGCTACTGGCTGCTTATTTCTATTGGTCGTTCAAC  
TATTTAGTATCTTCACTTATCTCCTTT

>trans\_c\_12084NM\_001069620|Oryza sativa Japonica Group Os09g0392000 (Os09g0392000) mRNA, complete cds

CAATATGAATGAAAAGTGGCCCTCCCTACCACCAACCTACGATCGGCCCACTCAATGTAAACCTTCTTTAATCT  
ACATGTTGTCAAGGAAAATATTATCAAA

>trans\_c\_12085NM\_127256|Arabidopsis thaliana F-box family protein (AT2G17030) mRNA, complete cds

GCGACGAGACCTTGAAAATACTAACGCCGCTGCATCCGGCGAGGCGAAACGGATTCTTCGCGACGAGACGC  
CGGCGAGCGTCAGTGAAGACAGAGATCGTGC

>trans\_c\_12086BT005216|Arabidopsis thaliana At2g24590 mRNA, complete cds

GTTGGTAATCTGGATCCACGCGTTACAGAGAGGGATCTCGAAGATGAATTTGAATGTTTCGGTGTCTTAGGA  
GTGTTTGGGTTGCTAGAAGGCCTCCAGGAT

>trans\_c\_12087AJ011831|Glycine max mRNA for NDX1 homeobox protein, partial

TAAAAAAAATGGGAGGCACTGGAGAAAAAAAACCCAAAAACATCCACCATATTGTCTCATTAGCAAGAAAGT  
AAGCCTTTTAATACCAAGTTCGGGATGGATT

>trans\_c\_12088NM\_180601|Arabidopsis thaliana CER1 (ECERIFERUM 1); octadecanal decarbonylase (CER1) mRNA, complete cds

GGAGATTTAAGTTATATTCTTATATTTCCATTCTTTTATTGAGAATGATTCACAATCAGATTGGATTCTCTCTCTCGTTACCAGACGGCTAAAGGAATA

>trans\_c\_12089AY354206|Cucumis melo Ananas Yokneam aminotransferase 1 mRNA, complete cds

TCCCGAACCGGTTCTGCGGGCAATGAACCGAAACAATGAGGATTATCGTTCGCCTGCCGTTCTGCTTTGACGAAACTCTTCTTGAAGATGTGAAACCTGCC

>trans\_c\_12090Novel Gene

TGGATGTGAAAACACCAAAGCCAGTTGAAGCTACAAATGATTTGGTAAAGGAGGAAACAAAGATCTCAGAGAATGGATCAGAAAACCTTTTGACCTCTACTTTT

>trans\_c\_12091Novel Gene

AGAACCGGTACTCGTTTGAACCATATAATTCTCTGACGACGATTCCGATTGCTCCGACCGCCGTTTTTTCCCCGTCTCTACTACATCAATCCCACCTTGATCT

>trans\_c\_12092DQ411468|Arabidopsis thaliana arogenate dehydratase isoform 5 (ADT) mRNA, complete cds, alternatively spliced

GTAAAGAGTATCTTACTCGCGTCATTCTCATCCTCAAGCCCTAGCTCAATGCGAACACACTCTCACCAACAGATTAAAGACCATGTGTGTGTGAACGGCACCA

>trans\_c\_12093FJ793046|Hypericum yezoense voucher TSU FB 1265 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

ATTGAGCATTTATCTGTACGAATCCGGCCTTCCATGGCAAGCGGCCACGGTCTCCAGGGGTAAGGCTTGTCGGGCCCCCTCCGTGCCAGGCTGTCTCCCCGC

>trans\_c\_12094Novel Gene

AGAAAGGAGGAGGAGAGAAAAGAGGATAACATCATTCGTTCTTCTGCTATTTCTGCAAGGCTTCCAATAATAACAACACTCCTTCTCCTTCTTTCCCCAATCTC

>trans\_c\_12095U31467|Vigna radiata pyrophosphatase mRNA, complete cds

ATGGTAACCCCTAGTTAGGCACCTGTTTTGTTTTGTCATATGAGCACGGTTGGGGCTTGGTACTAAAACCCCTCCACTGATCCAAGGAATAACCCCCGACCGTAT

>trans\_c\_12096Novel Gene

ATATCTCAATACAAGAGTACTGTTATATGATGTTTGATGTAAGTGAATTGTTGGATGTCTTCTTTGGAACTGTACATGAATTCCATCTATGTAGTTTTGTGA

>trans\_c\_12097AB109759|Arabidopsis thaliana aare mRNA for acylamino acid-releasing enzyme, complete cds

AAAGGTCAAGGGGATTTTAAAGAAGACTGGGGGGAAGCTTATGCAGGTAAAAGGCAACCTGCTCTCTTTGTC  
ATCAACATTGACAGCGGAGAGGTAAGACATG

>trans\_c\_12098HM369505|Malus pumila calmodulin (CaM) mRNA, complete cds

ACTAGTACAGAACGTTAAGAGCTTCAGTTGGATTTTGGCCAAGTGACCTCATCACAGTCCCAAGCTCCTTGGT  
GGTGATACAGCCATCGCCGTCCTTGTCGAA

>trans\_c\_12099Novel Gene

AACACCACTCGACACAAGTAAATCCAACGGAATTTTAAAGGTTTCGCCATTTCTCGCCGGAGACTTCTGTTTAG  
TACGGCTCGTCGAGTCTCTGAAAACCTCA

>trans\_c\_12100Novel Gene

GGTAATTTTACGAAGAATATTTGCTAGAGCAGTTGGTTCATCGATACGTTGAACTATAAATGTAAGCTTGTCTG  
TTAATGTTTCATACATATATGGCCTGTCTG

>trans\_c\_12101GQ377720|Sorghum bicolor delta-1-pyrroline-5-carboxylate synthetase 2 (P5CS2)  
mRNA, complete cds

GTTTGCAAGATTGTAAGATTCATGATGTAGGAGCACACAATGTTGGAGCCTTAGAAGGCTGTAAATGTGTG  
AATGGGACATGATGATGTGTTGTTATGTCCC

>trans\_c\_12102Novel Gene

TGTGTATCGGCTCGTGCCTCCGGTCCGTCCCTCTTCTCGTCGTTGCTCTTGTTCTCGCCTCCCCTTAGCCGTCAT  
CCACCCTACACCTGCAACCGTTCAATCT

>trans\_c\_12103CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

ATAAAAAAAGAAGGTAACTTGAGTAAAGCTAGTAAGAGGGGAGCTGCTTTGATCGGCGCAATTTCCGTGGC  
TCGCCGACGGCGGGCTCCCGACCGAGGGCGA

>trans\_c\_12104HQ163788|Ipomoea nil RSH1 mRNA, complete cds

TGAAGGTTTGTGGGAGGACCTTAAGCCCACTATCTCTTATTTATCACCTAAGGAACTGGAAGTGGTGCATAAT  
GCTCTAAAGCTGAGCTACCGTACCTGCCAA

>trans\_c\_12105Novel Gene

CGATGGAGGCGTTTACACTTACGAACTTGCCGGACTGAGGCGTTGGAGGACGGCGAGTACGCGTTAAGTG  
GGGGAAGCTTGTAGACGCCCCACGCAAATCCCC

>trans\_c\_12106EF185206|Bifora americana voucher Barclay & Perdue 785 (UC) Rps16 (rps16) gene,  
complete cds; chloroplast

AGACTGGAGAATAGAAACGGAAGCGCGCCGCGCCCCGTTGTTTGTGCCTCCGAACACTGTTGGAATGTCCTTC  
AAGTCGCACGTTGCTTTCTACCACATCGTT

>trans\_c\_12107XM\_002304310|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,  
ABC transporter family, mRNA

TTTTGCTCAAAGCGGGCAAACAAATGCTCCAATGACGCCGACAATGCCATACATCCAATCCGGTCCAACCATT  
CTGAGAGTCTTTTTGCTGAAACATGCCTT

>trans\_c\_12108XM\_002506401|Micromonas sp. RCC299 chromosome 15 radial spoke protein 8  
(RSP8) mRNA, complete cds

CGTGGTTTACTCCCATCTGGCAAGCGTGGGGTGTTTTCGTCCCGATGTTTCGACGCGGTAATTTTAAACATGGT  
GGTGATACTGAGTGGGTCAGGTTTTTACAA

>trans\_c\_12109GQ998426|Heuchera sanguinea voucher FLAS:M.J. Moore 329 ribosomal protein S2  
(rps2) gene, complete cds; chloroplast

TGATTATTGTTAAGAATTAATCGAATTGAAGCTATAGCATCATCATTCGCTGGAATCGCAATATCTGCGAGATC  
GGGGTCACAATTTGTATCAATTAACAAA

>trans\_c\_12110U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

GATATGTTCCATAAGCTTTTCGTGGCGGTATCTAGCATACAACACTCCCAACTCAGTGAAGATACCCATATGAG  
CACGTTCAAGTCCCAGTCCACTCTCCATG

>trans\_c\_12111NM\_001072062|Oryza sativa Japonica Group Os11g0104900 (Os11g0104900)  
mRNA, partial cds

TGAAAATGAATATAGAAGGCAGCTCATCGACCAAGTTGTGTCAACAGCCTTGCCAGAAAGCAAGAGCCCGGA  
GCAAGAAAGAATTTCCCTTCACCGCGCATAT

>trans\_c\_12112NM\_202427|Arabidopsis thaliana ARID/BRIGHT DNA-binding domain-containing  
protein (AT1G76510) mRNA, complete cds

TCAACGGTAATAGAGAAAATCAAAGGTTGGAATCTCAAGACATAGGCTCTGAATTGAGAGTTTGGGTTTAGA  
GAGAAAACAAGGATCCCACAAAATCAACAGA

>trans\_c\_12113CT029637|Poplar cDNA sequences

GAAGCAGGAACATGCAAGACCAGATTTCAAACAGAACCAACCATGCCCATTACCTCAAGTTCAAGGATGTTA  
CTTATAAAGTAATCATAAAAGGATCCCGCG

>trans\_c\_12114Novel Gene

CGATGGAGGCGTTTACACTTACGAACTTGCCGGACTGAGGCGTTGGAGGACGGCGAGTACGCGTTAAGTG  
GGGGAAGCTTGTAGACGCCCACGCAAATCCCC

>trans\_c\_12115X07654|Spinach mRNA for phosphoribulokinase (EC 2.7.1.19)

GTGAGCATGAACAGCGTAGTACTAAACAAATGACAGTAGTAGTATCACTTATGAGTGTGTTTGAGTCTGGGTT  
ACCACCCTTTGGTGGCTCTGCTGCTCCTCC

>trans\_c\_12116XM\_002880269|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata 60S ribosomal protein L7A, mRNA

AAGACAAGATGGAGTTCAGCAGGATTCTTGAAGCCATCAAGGCCAATTTCAACGACAAGTACGAAGAGTATA  
GAAAGAAATGGGGAGGAGGAAGACGTTTAGA

>trans\_c\_12117Novel Gene

CGAAGCAATTTCCCTTTTTGAATCATGGTTGATTTGCAGTGAAATGACCTGCAAGTGTCTGAGTTCCTCCCTTTT  
TTTTTTTCGCCCCCGGGTGGACGCGC

>trans\_c\_12118AY104583|Zea mays PCO092504 mRNA sequence

TAGTTTACGACCTGTAATGGATTGATAAAGGTCTTTGAATTCATAGCTACATAGTAGTAAGCTTGATGAGATA  
GTGACTGGTTGCTATGCAATGGGCGTACT

>trans\_c\_12119XM\_002876229|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat  
family protein, mRNA

TCCGGTTACTAGCGAAGAGGAATTCGGATAACAGAATTTGTATTGCTGAGGCAGGAGCTATTCCGTTCTAGT  
TGAAC TATTATCCTCGAATGACACTAGGAC

>trans\_c\_12120Novel Gene

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTCATCCATTCTCTCATCCGCCTAGTGACGGAGACAGAACAGACGAAGG  
GGAGAGACCTAGCTCAGTGTGGCACCTAACA

>trans\_c\_12121NM\_001072147|Oryza sativa Japonica Group Os11g0123400 (Os11g0123400)  
mRNA, complete cds

GAAGCATTCTTTTGCTGGCAGATAACCACTTTCAACATATCTTTAGTTGTGCATGGGACAGTTGCTGAAAACAA  
CTCTTGATAGTTATCACACACCCCATAC

>trans\_c\_12122EF363796|Cucumis sativus phospholipase D mRNA, complete cds

TGATCTGATTGTCATTCCATTTCTTCGATCAATCCTCTCTCCCACTCACTCAACTTCTACTGTTTCTCTGCAAAT  
ACAAGTGAGAATGGAAGGTACTTCGC

>trans\_c\_12123HQ457166|Brassica napus x Brassica rapa isolate Transposon18 non-autonomous  
Helitron-type transposon, partial sequence

TGTGTGTGGAGTCTGGGCGGGCGCAGGGCAGGGCGGGGGGAGCTTGTCACCCTAATTCATCCTTATCGAA  
TTTGAATATCAGAATAGTGGATATAGCCATG

>trans\_c\_12124XM\_002870379|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ethylene-dependent gravitropism-  
deficient and yellow-green 1 (EGY1), mRNA

CAAGTTGACATTTCACTTGCAGGCCCTTTTGCTGGTGCAGCATTGTCATTTCCATGTTTGCTGTTGGCCTCCTG  
CTCTCGTCACGTCTGACTCATGAGTACT

>trans\_c\_12125NM\_001049992|Oryza sativa Japonica Group Os01g0593000 (Os01g0593000)  
mRNA, complete cds

AGCAGTTTGAAGGAGCTGCACGCAGAATAGTCAATGCTTCTTTCCATCTCCACTGCCGTTGAGACAATGGTA  
GCAGATGCTGCAAGATTGACAATCGCCATT

>trans\_c\_12126NM\_001048288|Oryza sativa Japonica Group Os01g0102900 (Os01g0102900)  
mRNA, complete cds

CCATTCGAGGATGATTGTTTCCAGGGAGACATACGGCGATCTGTGTGACTATCTACAATATGACAGTCCCAAG  
ACAGTCTTTCCGGCTTCTTCTTGTCTACAA

>trans\_c\_12127Novel Gene

TTCCTGTGTTTGGTCCTTCTTCTTTAATATGGGAAGGATGACCGGATCAGTTATCTTTAGTGGTCTGGTT  
TCCAAAATATGTCTGGTAATTTGTGAGC

>trans\_c\_12128NM\_001063779|Oryza sativa Japonica Group Os06g0236900 (Os06g0236900)  
mRNA, partial cds

TAGGGCTAAGAGGGCTTTTGGCGGCAGGAAGGCCATCGAGTTACACGTATGCGGGGCAAGTAGGCGTATGG  
ACGTACACCTCAGGGCAGCAGACCTAGTATG

>trans\_c\_12129AB052228|Cucumis melo var. reticulatus Cm-ETR1 mRNA for ethylene receptor,  
complete cds

AGTTCAGATTTTCACCTGTGCCAAGTGATAGTCATTTTTATTACGTGTCCAGGTAAAAGATACTGGATCTG  
GAGCCGACTTCTGGAGCGCCTTTTTCACA

>trans\_c\_12130Novel Gene

TTCGCTCTGAACCTATATCTGAACTACGAGTACCTTCGCACCTTGAAGATGAATATGGATTTCTGACTCGTCCT  
ACGTAGCTTATAATCGCTCATCCTCGGG

>trans\_c\_12131tpd|BR000252.1||TPA\_exp: Oryza sativa Japonica Group ORR3 gene for response  
regulator, complete cds

GACAAAGCTTGGATTCTCCTCCATTGGTGGAGTGAGATGAACACAGAGAGAGGAGAATAGAAGATGGTCAA  
GTTTTGGGGTTGGGGTTAGTTTATGGATTGGG

>trans\_c\_12132XM\_002875909|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pectinesterase family protein,  
mRNA

ACGAGACATGTCGTTGAGAACACGGCAGGACCAAGCAAGCATCAAGCAGTAGCATTACGTCTGAGCGCGGA  
CCACGCGGTGGTATACCGTTGCAACATCATT

>trans\_c\_12133Novel Gene

CAAGGAATCTCGATTCATCTCGCCAGCCGTCTCCTAAACAATCTAGGAATGAAGCAACTTCATCAACGTCCTAT  
GTTGTGTCTCAAATTGTGCCAAGAAAGG

>trans\_c\_12134EF460695|Trichocoleopsis saccatula large subunit ribosomal RNA gene, partial  
sequence; chloroplast

AACTCCGAATGCCGGTAAGTGAGAGCGCAGCAGTGAGACTGTGGGGGATAAGCTTCATAGTCGAGAGGGAA  
ACAGCCCAGACCGCCAGCTAAGGTCCCAAAGT



>trans\_c\_12135DQ250017|Petunia integrifolia subsp. inflata cullin 1-like protein G (CUL1-G) mRNA, complete cds

AACGTGAAGGAGAACAGATTGACAGAGCTCTACTGAAGAATGTATTAGATATATTTGTGGAAATTGGTATGG  
GGCAAATGGATTACTATGAAAATGACTTTGA

>trans\_c\_12136NM\_001161003|Arabidopsis thaliana TSD2 (TUMOROUS SHOOT DEVELOPMENT 2); methyltransferase (TSD2) mRNA, complete cds

GGAAGGGATGTTATCTGGTCGTCAAATGTGAAAATCTCAGCGCAGGAGGTCCTTACCTCAGGAAGCTTGACC  
AAAAGGATGATGATGCTAGAGGAAGAACAAA

>trans\_c\_12137AF165159|Glycine max carboxyl transferase alpha subunit (accA-3) mRNA, complete cds; nuclear gene for chloroplast product

TACACTCATTTGACTCCCATACAACGTGTCCATATAGCTCGGCATCCTAACCGGCCAACTTTTCTCGATCACGTG  
TTCAATATCACCGAGTTACTGCTGGTTA

>trans\_c\_12138Novel Gene

ACGAGTTGTTGGTAACTGAGATGCACATATTTATGTTAAGACTCTCGGCTGTGTTAGAATGGTGTTTTTGAGG  
CCCCAACTGGGCTAATAGTCAGTATTTTT

>trans\_c\_12139DQ901528|Moehringia pendula maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

TCTCAGTACCTTTTTCCAGGAGATTATGATTCTCCGCTTGTCTTGAAATGGGGACATGACAGTCAACAGGAT  
GCATGAAGTAGAGTTTCCATCCAATAGCC

>trans\_c\_12140NM\_115231|Arabidopsis thaliana AGD6; ARF GTPase activator/ DNA binding / zinc ion binding (AGD6) mRNA, complete cds

AATGATGGATGGCAACGGAACGAGAATGAGAAAAATGGATATTATCAAGAATTTGAACATGATAACAAAGG  
ATGGGGCCTCCTCCTCAAGTGTCCGTGACTAC

>trans\_c\_12141Y17192|Cucurbita pepo mRNA for peroxidase

GGCACATACGTTCTGGGCGGTCCAGATGCTTGTTCTTCAGTGGTCGTTTCTCCAACCTTCAGTGGCAGTGGGCAG  
CCAGATCCGATTAGTTCTGAACCATGCACTT

>trans\_c\_12142AF419992|Closterium ehrenbergii 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

AGCGCTACGCTTGATCGTATGCACGCCCCGCCATAGTGGCGCATCCGGCACGGATTCTGACTTAGAGGCGTTC  
AGCCATTATCCGGCAGATGGTAGCGTCGCG

>trans\_c\_12143Novel Gene

ATCACGCAGTTCAAGCCAAGCACTCGAGCTTTTTTTTTTTAGGGTTTTTGATGTAAATAGCGTGCTCGTTCTAG  
AGAGTAGAAAGCGCCAGAGGTTTTCCGCG

>trans\_c\_12144Novel Gene

TAAGCGTCCTAGAGACGGATTGTCAAGTAAGAACGAGATTCAACCTAGTGTGAGTCCCAAGCCATCAATTCCT  
GAAGAAATATCTATGGGTAGTGTGAGAAC

>trans\_c\_12145AB445119|Lilium hybrid division I ZDS mRNA for zeta-carotene desaturase, partial  
cds, cultivar: Connecticut King

ACGAACCCAAATGTTGCCAACAATTTCCAAGTTGTCATGGGAACTTATAATGAAGATACATATTCCTTTCCTC  
CGTCAAGTTCCCGTCCCGTTGCTGGTCTG

>trans\_c\_12146AJ620909|Antirrhinum majus mRNA for SEU3A protein

CTGGTGACCCACTCTCATCGACTGAAGTCGTTGTGATTCCAATTTCACTGGACCAAGGTTTCTCAAAGTTTGC  
AAATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGTTG

>trans\_c\_12147Novel Gene

TGAGGAGGAGGAGATGGCTAGAGTGATTCCGGTCTATGTTTTGATTTGATAAACTTGTGTTATAACAACGAA  
CTAGCAATGGTAGTTAGACATCGTAAATGT

>trans\_c\_12148AY364882|Orchis purpurea internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene,  
and internal transcribed spacer 2, complete sequence

AATTAATCTCTTCCTTTCCTGTGAAAGAGAGAACAAATAACATAACTGAATTTTATCCAAACGGGATCTCTCT  
ATTTTTTTTCCACATTTTCAACAAAAA

>trans\_c\_12149EF616487|Oedogonium howardii 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAAGGAGTGTGTAACAACTCACGGGCCGAATGAACTAGCCCTGAAAATGGATGTATGATGTCGATGGCCCGA  
GGGCTCTACAGACCGTTTAGCTTTGTTATGC

>trans\_c\_12150NM\_125231|Arabidopsis thaliana binding (AT5G58450) mRNA, complete cds

CTACTGATGTTGCCAATGCTGTACTTGATGCCCTGATGATTGGGAGTGCTTCTTACACTATCTCGGCTGTCTGC  
TGGAGGATGATAGTATGACCACGTGTGAG

>trans\_c\_12151AP009374|Lepidium virginicum chloroplast DNA, complete sequence

AAAAATAAGACATGTATTTGGATATTTCCCTTCAACTCCACGAAATTTTATTCGTTATTTTTCAATAATAGTTGAA  
GGGAATTCTTCGAAGAGAAAATGGATTA

>trans\_c\_12152HQ156465|Cucumis sativus cultivar zaoerN glyceraldehyde-3-phosphate  
dehydrogenase mRNA, complete cds

AATGGCCAAGATCAAGATTGGAATCAATGGATTGGAAGGATTGGGAGATTGGTTGCAAGGGTTGCTCTCCA  
GAGAAATGATGTTGAACTCACCAGACAAAAC

>trans\_c\_12153FN432042|Nicotiana benthamiana mRNA for PME inhibitor

TCTGCTGCGAGATCGAAATTGCTGCCACGGAGCTTCGGCATCTCGGAAATGGAAGCAGCGAGGGAGTCGACA  
GAGTCACTCAGTTCTTGGTTTGGACAGTTAC

>trans\_c\_12154Novel Gene

AGTGCTTTGTATACGAAGAACTGGGGCTAGCAGCTTCCAAAGACCACTCATTGACTAACGATGATTATTCTTTA  
AACAGCCACGAACGGCGCGGAGCCAGGGG

>trans\_c\_12155Novel Gene

AAAGAATACGATAACCCCGAAATTCAAACATCTTTACTAGTCCGTCATGAGGGGTGCTAAGGCTAGGTCTCAT  
ATGCGGATAGGTGGGTAATTTATTTACTGA

>trans\_c\_12156HQ340170|Oryza coarctata ubiquitin 2 gene, partial cds

TTTGCCGGGAAGCAGCTCGAGGATGGGCGAACGCTCGCTGACTACAATATCCAGAAAGAGTCGACACTACAC  
CTGTGTAGACTTAAAGCACCACCATATACCA

>trans\_c\_12157CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

GGGCGGGCCCCCGCGCCCCAACGGGCCTGTGCCTATACCGCCAATATAACCTGCAGCGGGGGGCACACCT  
TGGGGTAGCACCTGAACCCCCGGTGTCCCA

>trans\_c\_12158NM\_106680|Arabidopsis thaliana sulfate transmembrane transporter (AT1G80310)  
mRNA, complete cds

GAAGAATCATTTGTAATGTTGGTTTGTGCTGCTGTTTCACTCACTGGGTCTAGTGCTGCTTTGGGTTTTGGTGT  
TGGGATTGTGCTGTTGAGAAGTGGTCCCA

>trans\_c\_12159Novel Gene

AAAGCATCTGCCAAAGGTCAAACGGGGTCTCCATTACGGATCTTTGTTTTCCGTACTTAAGGAATGAAAGTG  
TTATGGAGGTGGTGGATAATATTCAAGAAC

>trans\_c\_12160Novel Gene

CAGGCAGCCGGAGGTCTGGTGCTACTGGAGACAACAGTGGTTATAGTTATGGTCAACCACCAGCCTCTACTT  
ATAATCAACAGGGTTATTCTCAAGATGGCT

>trans\_c\_12161AF318627|Haloxylon ammodendron 18S ribosomal RNA gene, partial sequence;  
internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete  
sequence; and 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTGAGCCCAGAACTTGACAACTGTTCTTCACTCCCATCAGCAGCAGCCGCTAAAGCACTGCGTGACGCCC  
AGGCAGACGTGCCCTCGGCCAGAAGGCTCC

>trans\_c\_12162HQ457166|Brassica napus x Brassica rapa isolate Transposon18 non-autonomous  
Helitron-type transposon, partial sequence

TGTGTGTGGAGTCTGGGCGGGCGCAGGGGCAGGGCGGGGGGAGCTTGTCACCCTAATTCATCCTTATCGAA  
TTTGAATATCAGAATAGTGGATATAGCCATG

>trans\_c\_12163NM\_001072824|Oryza sativa Japonica Group Os12g0175700 (Os12g0175700)  
mRNA, complete cds

CAATGGGGGTAAAACTGGATAAAATCAATGATCTTCACAGCATCTCTATTTCCATTTTTGTGCTTTGGAATTG  
GATTCATCTTGAACGTCGCCATCGCGCCT

>trans\_c\_12164NM\_001056258|Oryza sativa Japonica Group Os03g0278000 (Os03g0278000)  
mRNA, complete cds

TGGAGGATGATTTCCGAACCAGACTCGAAGTCCCGAGGAAAACTAAGCTTGTCATCCTTGGTATAATCATGG  
CGAAAAATGGAGCTGCAAACTTACTTCCAA

>trans\_c\_12165EU002475|Begonia cucullata RNA polymerase beta" subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

ACACATCGACCTCACGTACAACAATGTGTTGAACTACTTCAACAAGTCTACGTGTAAGATATCCAGCATCCGAT  
GTTCGTACAGCAGTATCCACAACCTCTT

>trans\_c\_12166EU431190|Triticum aestivum cultivar Torero subtilisin protease mRNA, partial cds

AAACACAGCTGTAGCAGTTGGATTCCGATCCGTATGAATGTAGTCTCGAAGCTTGTTGCCGGCGATTTACCG  
ACCATTGTTCTGGAATAAGATGGGAGTCT

>trans\_c\_12167Novel Gene

AGAAGAAAAAGAAGCTGACGCTTCCATTGATGAAGCAAGTCAAGCTCCAGCCAGTGATGCTCTTAAAGAAGA  
ACTCGAAGAGTTGGTGGTGATGGTGGAGTGG

>trans\_c\_12168FJ425756|Lecanorchis nigricans voucher Yukawa s.n. (WIS) 18S ribosomal RNA gene,  
partial sequence

AACCCGGGAAGTGGTCACCCTCATAGACCACTGAAAATCTGAGTTTTCGAGAGTTCTTTGCAGAGGCCATAG  
CTAGTTAGCAGGCTGAGGTCTCGTTCGTTA

>trans\_c\_12169AF036498|Saxifraga mertensiana large subunit 26S ribosomal RNA gene, partial  
sequence

ATGGGTAGTCGATCCTAAGAGACGGGGGAAACCCGTCTGATAGATATCACTATATCCACCTAGGGAAAGGC  
TAAACCGGGGCCTTCAGGTTAAAGTACCCGC

>trans\_c\_12170XM\_002873153|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ABC1 family protein, mRNA

AAGGCTTAGGGGCTCCCGAGATGATGTGGTTATTAAGGTTCTAAAACCAGGGATAGAGGACATATTGGTAGC  
AGATCTAAATTTGCGCGCGCCACCATCTAT

>trans\_c\_12171M16056|Cucumber SSU mRNA encoding ribulose biphosphate  
carboxylase/oxygenase, complete cds

TGAGAAGGTAGTCAACTTCCTGGAACCGCATCTACCGTCTGCGCTGAAGGAACGGAGGGAGACTCTAGGTC  
CTCTCAATCCAAGTGGTGGCCACACCTTCAT

>trans\_c\_12172BT008446|Arabidopsis thaliana At5g25460 gene, complete cds

AAGGCGGAATCGACGAGGACAAGAATTATGTTCTTGAGCACATTCTACACCATGCGAAGCGATGATTTCTCGT  
CGCTATGTGGACCGGTGCTGGTATTTCACT

>trans\_c\_12173NM\_105615|Arabidopsis thaliana EXS family protein / ERD1/XPR1/SYG1 family  
protein (AT1G69480) mRNA, complete cds

TACTCAAGACTACCTTGTAGAACGGAGCACAGACCAAATGAAATGCACTACGAAGTAGGAAGAAGCGGCTGG  
AACGGAATATGATATTGAAAGGACAAAATAT

>trans\_c\_12174NM\_001058998|Oryza sativa Japonica Group Os04g0321600 (Os04g0321600)  
mRNA, complete cds

GAGAGAGCTTGGATTTACGGCGTTCCTTATAAATCTTCTGCCTTTATTGTCCCAACCTCAACCTGCTTGGTTGA  
ACTTATAGAAACACCTCTCATGAGAGAC

>trans\_c\_12175AJ972675|Flabellia petiolata kpa1 gene for P-type ATPase, exons 1-4

AGAGCCAATTCTTGATACTCATGCTTCAACTTCAAGAGAGACATTAACGTGGAGGCCGGAAGACAGAGATGC  
TCCCAAGGGTGGGTTTGCAGCATTTTTTCTC

>trans\_c\_12176NM\_111043|Arabidopsis thaliana ATBET10 (Arabidopsis thaliana BROMODOMAIN  
AND EXTRATERMINAL DOMAIN PROTEIN 10); DNA binding (ATBET10) mRNA, complete cds

CGGGAGAGGGAGGAACTGGAGCTGGAGCAGAGGAAAGAAAAAGCACGATTGCAAGCAGAAGCAAAGGCT  
GCACAAGATGCACAAAGACGAGCTGAGATGAGGA

>trans\_c\_12177Z11883|S.tuberosum U1snRNA variant genes U1-1, U1-2, U1-3, U1-4, U1-5 and U1-6  
CTCCTAAAGTGCAATGGAGATCACCAACCTAGGCCATGAGCCTTCCTGATCGCCCATGACCCCGTCCACCTCG  
CGCCCTAGGTATTCTCTACCTACCCACC

>trans\_c\_12178XM\_002326701|Populus trichocarpa multidrug/pheromone exporter, MDR family,  
ABC transporter family, mRNA

AATGGAAATGGAGAAACCAAGGCATGTTTCAGCAAAAAGACTCTACTCCATGGTTGGACCGGATTGGATGTA  
TGGCATTGTCGGCGTCATTGGAGCATAACAA

>trans\_c\_12179CP001323|Micromonas sp. RCC299 chromosome 2, complete sequence

GGGAGAAGTTGATCGTTAAATAGCGGCCAGCGTGCTGTGGACTTGGAGCGCTGGCCTCCCCCTAGAGCCAA  
GGCCTCCGATCTTTCTCCCTCTGGAGAAAGA

>trans\_c\_12180Novel Gene

ACAAAGGGAGAAAAAGAAATAATAGTTTGAACCAGGGCTCGTAGATGGTAATATGGGTGTTACTAACCCGTA  
TGATAACGATAAGTATTACCTTTCCTGTGCC

>trans\_c\_12181AC006601|Arabidopsis thaliana chromosome V map near 60.5 cM, complete  
sequence

CTTTCTAGATATTGCTGTTCTAAGATGCTCGTCTGGGAGTTTTTCGAGTTGATCGTGCCAAGCAATGAGGAGTC  
TCTGAATGGGTGGATTTTGAGCTCTTGGT

>trans\_c\_12182Novel Gene

AACACGAGCATGAGCATGAGCATGAGCATGAACCAGAGGTTCTGTGCATCCTGAGCCATCTGTGAAGAAGG  
TTCCTGAAGCAGAGTGTTACACTCCTGAGGT

>trans\_c\_12183FJ481100|Prunus salicina var. cordata NAD-dependent sorbitol dehydrogenase  
mRNA, complete cds

TTAGCTTAGAGGAAGGAGCCATGTGTGAGCCCTTAAGTGTTGGTGTTTCATGCTTGTGACGTGCTAACATTGG  
TCCAGAACACGGCACCCACAGTACCCTCA

>trans\_c\_12184Novel Gene

GAAACTGAGATGAGACGTATTCGACATGGATTTGATGGCATTCTCGTTCTTCTGCTAAATATAAGTCACTCAA  
GATCCACGCTCATGATGAGGATATTGAGA

>trans\_c\_12185EU649731|Malagasia alticola waxy 2 gene, exons 7 through 10 and partial cds

CATTCGAGCTCGCAGGATAATAATGGAAGCAATGTACTATTAAAGAATGCAGCAAACATGGACCACAGCTCA  
AATGTCAGGTACGACCTGTCTTTGCTAAAAG

>trans\_c\_12186Novel Gene

TGACGTAAACG GTAACACTTCCCTTAGTGCTGTAAGTAAGAATTCTAGTACAAAATTTAGATGCTGGGACCAG  
GGAAACAATTATGTTCTATTAAATACGGAG

>trans\_c\_12187Novel Gene

TCGAAGGATCTGTCAGCTTTACCCACAAAAACCTACCAACAATGGCGTCTTCCGACAAGGATGTTGAAGAACA  
GCTTTTGGAAGCTGGCAATAAGTAACAACCT

>trans\_c\_12188NM\_001063673|Oryza sativa Japonica Group Os06g0215400 (Os06g0215400)  
mRNA, complete cds

TGTGCAGTAGTCCGAAGTGAAGAACTCCTTTGGAGTAATATCAATATTCTACCGCCCAGCTTCTCCGGTTCCTT  
GACAAGAACTTCCCGCCCAGATTCAGAGG

>trans\_c\_12189Z48674|S.rostrata mRNA for chitinase-like protein

GGATTGAAATGTTGGGAGAAAATGGATGTCAAGAGGCATCTGGAAGCAAAAGTTGTTACACTGCACAAGACA  
TAGCTTTATTTTGAAGAAGGCCAACCTCA

>trans\_c\_12190FJ467934|Carica papaya transgenic cultivar SunUp tetA pseudogene, complete  
sequence

AAACCTTCTTATTGGATGATCATTATACTTCCCAAAAATCGAAATCTTGATCAATGGAGGAACAATATCACC  
ATTTTTGTTCAATAAGATACCTAAGTGGA

>trans\_c\_12191NM\_001061954|Oryza sativa Japonica Group Os05g0386800 (Os05g0386800)  
mRNA, complete cds

TTTCTACTTTCCAGCTTCAGTTTCACTTCAACAGAAGCCTATGACGCTCTTGATCCCAACGGGAACATCACAATC  
AAGTGGGATGTAATGAGCTGGACTCCAG

>trans\_c\_12192Novel Gene

CCTGTGAACAACCTGATGAAAAAAGCAGGGCTCTGTTGCCTATTTTGTGAATAGTGCTCTCGTAAACTTCAGG  
AAAAGTGAATGTATCTAATAAAAAACAGGCC

>trans\_c\_12193XM\_002947268|Volvox carteri f. nagariensis dynein heavy chain, mRNA

TAAGAATATTTGTTTTGAAAAGTCCCTCTGGTGGACCGTCCGAAAGGTCGGAATCCGGTATTCGCTCTCTCAC  
TCGTCGTCCGGTCGGGAGGCAAGCGTGAC

>trans\_c\_12194DQ629339|Illicium floridanum large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast

ACGCCTACCCCCGGCCGGGCACAAAAAAAAGCCCCAGGGGTTTGTTCCTCCCCCAACAAGGGGTAGTACA  
GGAATATTCACCTGTTGTCCATCGACTACGC

>trans\_c\_12195Novel Gene

CCATTTGCCTTTAAATTTGAAGTAGTGAACCCACCAAAGTTGGTTTAAAGGGAGGAAATTAATAAAAAAGAAA  
TGAGAAAAAAGAATAAAAAGGTAAAATGC

>trans\_c\_12196NM\_122330|Arabidopsis thaliana phosphatidylinositol 3- and 4-kinase family  
protein / ubiquitin family protein (AT5G24240) mRNA, complete cds

AAAGTTTAACCTTCACCGTCTAATGACAATGGAAGGCCCCGTGGATTGTTTAAGGCCATTGGCTCCTCATCGA  
TTGGCTTAAAAACAGATACATACTTCTTT

>trans\_c\_12197NM\_179666|Arabidopsis thaliana CLASP (CLIP-ASSOCIATED PROTEIN); binding  
(CLASP) mRNA, complete cds

TCACCAACAGCGAGACCAGACTACGTTCAGAACCATCAACAGAAGTCTTGACTGAGACAGAAGTCCAGTAG  
AGAGTGATGTCCAGATGATAAACTCGAACT

>trans\_c\_12198XM\_002881127|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

TGAGTGAAGGGTATGGGAACACTGTTTTCGCATTCTCAGCTTTGATAAGTGCTTATGGGAAGAGTGGTACTT  
CGATGAAGCTATTAAGGTGTTTGAATCCAA

>trans\_c\_12199FJ708816|Arabidopsis thaliana leucine-rich repeat receptor-like protein kinase (LRR-  
RLK) mRNA, partial cds

AGTTCTTACAGGATTCCGGCACTTCTGAGTGCATGTCTGCCATTGCTGGTCTTATGGATATATAGCCCCAGAA  
TATGCCTACACACAAAAAGTTGTACTCTT

>trans\_c\_12200AF522185|Helianthus annuus ribosomal protein small subunit 28 (SRPS28) mRNA, complete cds

TCTACAAATTCCACTGATCGATTTCTCTCCGGCCTTTCTCTCGCGTTTGAGGAATGGAATCCCAAATCAAGCATG  
CTGTTGTGGTCAAACATAATGGGTGGGGT

>trans\_c\_12201NM\_001061695|Oryza sativa Japonica Group Os05g0311000 (Os05g0311000)  
mRNA, complete cds

AAGCCTAAAGGCCGTCCACCTTCTTGCTACTGCTCCCCCTAAAGGCCTTGGCATGCAGCTTGGTAAATCCCA  
AAGGACCAATCAATTTTTGGAATCTTTGA

>trans\_c\_12202XM\_002879568|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata CBS domain-containing protein,  
mRNA

GTAATGACCCCAAATCCTGAGTGTGCAACAGTGGAGACGACAATCCTTGATGCATTGCACATAATGCACGATG  
GGAAGTTCTTGCATCTTCCGGTCCGCATAG

>trans\_c\_12203NM\_130054|Arabidopsis thaliana armadillo/beta-catenin repeat family protein / F-  
box family protein (AT2G44900) mRNA, complete cds

AATTATCGTGACCGGGCAAACCTTGTCATCAACTGTAGAACATGGAGACTTCTTGGATTATCTTCATGCTTGTG  
GACTTCTAAACTAGGGATCTAACATAAAA

>trans\_c\_12204DQ444221|Nicotiana plumbaginifolia Joka20 mRNA, partial cds

AGGCAGTAGAGGAGAAGACGGAATTCGATGTGGTGATTGAGGATGTGCCTAGTAATGCAAGGATTGCTGTG  
TAATTGGCAGTGAGACGCAACTGTTGCTTGTA

>trans\_c\_12205NM\_122399|Arabidopsis thaliana CYP714A2; electron carrier/ heme binding / iron  
ion binding / monooxygenase/ oxygen binding (CYP714A2) mRNA, complete cds

AGTCTAGGGCCTGCCCAAATGGCACGTAGGCCTGAGGGAACTTGACGCTTTAGCTACGCCATTTGCAAACC  
GCTCTGGCTTGAACCTATTGGCATCTTCTC

>trans\_c\_12206Y15076|Glycine max mRNA for ferredoxin thioredoxin reductase

AAAAAAAATGTGCTGTTGTAATCAAGGGACTGGCAGATCACAAGATACATTGGGAGCACCACTTTGTCCTTG  
TCGGCATTATGATGACAAACCTGTCAGAAC

>trans\_c\_12207NM\_121181|Arabidopsis thaliana zinc ion binding (AT5G11430) mRNA, complete  
cds

AAGGCGGCTCCGTATCGAGGGACTCCATGAACTCATCTAGGGAGACGATTGGAGGCAGCAACTCCGTATCCT  
TCAGACCGTCATCAACCATGAGTCCTTGCAT

>trans\_c\_12208NM\_001068411|Oryza sativa Japonica Group Os08g0434000 (Os08g0434000)  
mRNA, complete cds

AGAAGGAGAAGGAGAAGAGAAAGTTAGAAGTTTTTCATTGCGATATGGAGGGGTATGTATAATCACCAAAAC  
ACAACACCCCCCAACCGCGGGGTGTCGTTA



>trans\_c\_12209NM\_001050279|Oryza sativa Japonica Group Os01g0653800 (Os01g0653800)  
mRNA, complete cds

TGCACATGCTTTATCCTTAAATCATCCTGGTATTCGTTGTCGATGTCTTGCTGCCTATGGTGATGCAGTCAGTGC  
TGTCAAATGGGCAACATCCGAACCATCT

>trans\_c\_12210NM\_001061004|Oryza sativa Japonica Group Os05g0116000 (Os05g0116000)  
mRNA, complete cds

TGGAGGATGTGGACTCCACACAACCTCGTCCTCCGTTCTTCACGTCAACATCCAATGGTGCTTCCTCACAGTTCA  
ATGCCATTCCATTTCGGTGCTCCTTCTTC

>trans\_c\_12211XM\_002887189|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata zinc finger family protein, mRNA

AGGAATCTTCCGAGCAACACACGAGTGAAGATGGCATGTTTTACTGCAGTTTGTGTGAAGTTGAGGTTTTCAA  
GTACAGCAAGCACTGTAGGGTTTGCGATGG

>trans\_c\_12212Novel Gene

ACTGTTACTCTCATCTCATATTATTATACACACTGGATTTATGTATCCTCCTGTTTAACTGCAAAAGGTGAACAC  
AAAGTCGAATTTTCGTCACCTTCTCGGTGT

>trans\_c\_12213U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

CGGATGTTGCTTTTTGCAAACAATTCTCCGAACGGATCCCCAGGGAGCAGTTAACTTCGCATTGATGATGTCAC  
AAATGGAAGGAGGTTGCCCTGTTGACATG

>trans\_c\_12214NM\_105819|Arabidopsis thaliana Rieske (2Fe-2S) domain-containing protein  
(AT1G71500) mRNA, complete cds

CTTCTGGGAATGCAGTTAGGAGCTCAAAATCTAACAATAACAAGAAGCCAATCACTGCTGCCTTTCCATTTATT  
ACTTCATTCTTTCCGGTGAAACCAACCC

>trans\_c\_12215FJ609179|Pisum sativum pseudo response regulator 59 (PRR59) mRNA, partial cds

TGAGAAACCTGTGGCAACATGTTTGGAGAAGACAAGCATCATCCAATGCGAGAACTGACGTTCAAGAAAAGG  
TTGAAGTCACTTCAGAAAATGAGCAGTACCT

>trans\_c\_12216NM\_114545|Arabidopsis thaliana PTAC16 (PLASTID TRANSCRIPTIONALLY ACTIVE  
16); binding / catalytic (PTAC16) mRNA, complete cds

CCATCCGTGGGAATGACACTGAAAAGTTGATCCACAGAACTTGAGGATGCAGATGGACTTGAATACACTTCTA  
CGACCTTGTTTTCGGCCACTGCCGTGTTTCG

>trans\_c\_12217XM\_002325386|Populus trichocarpa tubulin alpha-8 chain (TUA8), mRNA

CACCTTTGGAGGCTGCGGGCCGTAGTGGTTGTGGTGGAAGTGGATCTGGATTGGGGTCATTACTTTTGAAC  
GCTTGTCTGTGGATTACGGACTCTTCAGTTT

>trans\_c\_12218Novel Gene

CAGTGGCTGTGCCTTGTGGATTGGTGATCTAATCGACTTGAAATTGATTCCGGACGCAGGACAGGATTTGTAT  
GTTAAAATGCCAGCGCTGAGACCGACACCT

>trans\_c\_12219NM\_001084164|Arabidopsis thaliana integral membrane HRF1 family protein  
(AT1G30890) mRNA, complete cds

CATGCCATGGATGGCCTTATGCATGGGAATATTCTTGGTGAAAACGATGAAGAGAGTGCTATTTGCTGAGGT  
GAGGAGCTATGATAGTTCGTCCGCGACAGCG

>trans\_c\_12220Novel Gene

TAAGTCGGCCGTTTCGTTGCAGCCTCTTAGCCAAGGAGAAGAAGCATCAGGACGAAGACGCTCAACCTCTACT  
CTCAGTGGCACTACCAACGACGAACAGGAG

>trans\_c\_12221Novel Gene

CGTCCTCACCGCACGTTGTCGGATTGCTGCCAAAGTCCATAAAGTTCAGCTCAAATGGCTCCCTCATTGTATCG  
GCTTCTGAGCCGAGCATCGGAGTTAATTC

>trans\_c\_12222XM\_002883224|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata leucine-rich repeat family protein,  
mRNA

TATCGGACATTTGGATTTGAGCCACAACCATCTTTGTGGTCCGATACCGACCGGAGCACCATTTCGATCATTTAG  
AAGCAGCATCGTTTGTTCAGAACTGT

>trans\_c\_12223XM\_002318302|Populus trichocarpa argonaute protein group (AGO915), mRNA

CAGACGGTACGTCATAATGCATACCATAATGATCCATATGCTAAGGAGTTTGAATCAAGATCAGTGAGAAGC  
TTGCTTCTGTTGAAGCGCGTATTCTTCCGG

>trans\_c\_12224AJ491856|Pisum sativum mRNA for GDA2 protein (gda2 gene)

AGTGGCTCTTTTCAATGCAATTGATAAAAGATTCAAGACATTGCCAGCAACAGAGACACTGCCAGAAATGAA  
GTGAGGTGTGGACGTGCAGGGTGAGTGTTG

>trans\_c\_12225Novel Gene

AGAGGTCTTTAGTAGTGACAGTGAGGATGAAGAAGATGAGGAAGGTGACAAGGGTAGCAAGCCTGATGCTA  
AGAAGAAAGGGTGGTTTTCGTCTATACCTTGT

>trans\_c\_12226EU195226|Leucaena leucocephala cinnamoyl CoA reductase (CCR1) mRNA, partial  
cds

AGGGTAGTTGTTTCGTTCCAACTGAATAGGGTGTCGGCTAATCCCCATGTCGAAGGCTGGAGGGGGTGATGCC  
TCTGAGTATGTATGAATCGTTGCGTTGTGC

>trans\_c\_12227AJ419727|Cayratia trifolia plastid partial rbcL gene for rubisco large subunit

CCAACCATTTATGCGTTGGAGAGCAATCCCTTCGTTTTGTGCGGAAGCTATTTTTATTAGTGTCGACTTTGTCC  
ACTTTAGTTTCCTGGCCGTCCAGGCAT

>trans\_c\_12228NM\_001062583|Oryza sativa Japonica Group Os05g0516800 (Os05g0516800)  
mRNA, complete cds

AGGTCGTTTTAATCGGAGATTCTGGCGTTGGCAAGTCCAATTTGCTTTCTCGCTTTACCAAAAACGAGTTCAGC  
CTCGAATCTAAGTCTACTCGGTCGCCCT

>trans\_c\_12229EU724807|Zea mays subsp. parviglumis isolate hm2\_z9 NADPH-dependent  
reductase (hm2) gene, partial cds

TAATAATGGTGATGGTCTTGTTTTCTCCGGTGAAGTTGAACGGGCGGTTTCCTTCTGTATTGGGATTTAACGT  
ATATTTTCAACTGATGAGCTGGACTGA

>trans\_c\_12230AF491304|Brassica napus calmodulin-binding transcription activator (CAMTA)  
mRNA, partial cds

CTATGTGTGGGCACTTAACCCAATTCTCAGTTGTGGAGTAAATATAAATTTCCGTGACATTAATGGGTGGACTG  
CTCTACACTAAATGATGTACAAACCAAG

>trans\_c\_12231NM\_100188|Arabidopsis thaliana WD-40 repeat family protein / beige-related  
(AT1G03060) mRNA, complete cds

GGAACCCAAGAAAAGATCATTTACTTCAACATATAATGGTGATTCTGGAATCGATATCTGCACAGTCTTACAGT  
TATTAGTTGCTCACGAGGAGGCCATCTT

>trans\_c\_12232Novel Gene

GACGTTGTTTTTTAACCGGAAAGTTAGAGATCGGTCGCTAGAGTCCCAAATCTCTCAAGTGTGCGTCCTACAG  
GGCAACCTGCATGTACCATGCTGTCTCCC

>trans\_c\_12233Novel Gene

TTATCTGGTCCATGACTGATTAGGCTATATGATCTTTGCTTGCGGCATCTCTAACTATTCGGTTAGCGTCTTTCA  
CTTAATGAATCACGCCTTTAAGTTTCG

>trans\_c\_12234EF578179|Oryza granulata chromosome 7 anonymous locus NP91 genomic  
sequence

CCTTCCGATCCCCATCATGGCTCTCGTTGTGTAGGTCTTGTCTGCACCGGCAAATGTCTCTACCTTGGATTTTC  
GACCTGCAATAACAGGTATTGCCGCTT

>trans\_c\_12235HM446737|Psychotria deflexa maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

TGAATAAAATACTATGGTCTAATAACGAACCATTCTGGCCGAAACTATTATAATCAAGAGAAAAAACACTTTTT  
CGGGGATAAAAAGGTTTTCGGCCTTACC

>trans\_c\_12236XM\_002892831|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata wus-interacting protein 1 (TPL),  
mRNA

GGTGCACCAATCTCTCATGCAACATTCTCTTGCGACAGTCAAATGATATATGCCAGCTTTTTGGATGCAACTGT  
CTGTGTGTTGCAATGATAGGACTCACTC

>trans\_c\_12237Novel Gene

AGCAGCAACAAATTTTTCAGTCTTTACCTCCTTTCAGAGAGCTCATATGCAGCAGCAGCAGCAGATACAGTT  
GAGGCAGCAGCTTCACGTACAGATGTGAT

>trans\_c\_12238CT029389|Poplar cDNA sequences

AGGAAAGATTGGGCTTTTTGGTGGTGGTGGTGGGGAAAACTGTGCTTATCATGGAAGTTATCAACAATGTT  
GCGAAAGCTCATGGTGGTTTCTCTGTTTT

>trans\_c\_12239EU002389|Bursera simaruba photosystem II CP47 chlorophyll apoprotein (psbB)  
gene, partial cds; photosystem II protein T (psbT) and photosystem II protein N (psbN) genes,  
complete cds; and photosystem II phosphoprotein (psbH) gene, partial cds; chloroplast

GAGCACATTACTAAAGACAACAGGGAAAAAGCAAGAAACCGCAACACTAATCTTCCAAAAGGACAACGTTCA  
TCACAAAATATTTCTAGATCCCAATACACC

>trans\_c\_12240Novel Gene

GACATGAAAGGTCTGAGAGGCGAAGAGATCGGGAAGAGAAACGAGAGCGTGAACATTATTCAGTGGCTCCA  
TCTGCGACTGTACACACAAATTGTCTTGGGG

>trans\_c\_12241DQ535862|Scopellaria marginata voucher Kocyan AK178 (BKF) ribulose-1,5-  
biphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

TATTGATAGACAGAGAGGCTGCAACGCATGTCCTATGTGCAGCTAGCCCGCGTTACGTATGTCTGGTGGAGAC  
CATATTCACGCTGGATGGCATCAACCATT

>trans\_c\_12242Novel Gene

CAAAACAGATTGTGACTTTGTTGGCTATGTGGAGGGCAGAGTTAGGCAGACTCATTTGCTGATTCCACTGGTC  
GCATGTTTCGATCTGTTTAGGTATGAGGAG

>trans\_c\_12243NM\_001049328|Oryza sativa Japonica Group Os01g0292900 (Os01g0292900)  
mRNA, complete cds

GAAGGCTATATTTTCAGTCAAAGGAATAAACTTGAGCCAACCTACAACCTAGGTTACTCTGTGCAATTGAAGGG  
AAATATCTAACTCAGGAAGCTTCAGATGA

>trans\_c\_12244AY103677|Zea mays PCO099976 mRNA sequence

GAGGCTAAATTATTGTTTATCACTCGCATCCGTGGTATCAATGCCATGCACCCGAAGACGAGAAAGATATTGC  
AGCTGCTGCGTTTGAGGCAGAGTTTGGGG

>trans\_c\_12245NM\_001189339|Oryza sativa Japonica Group Os10g0556801 (Os10g0556801)  
mRNA, complete cds

GTTTTACGGTGTGGGGTAGGGTTAAGATGCCATAGCTGGAAGATCAATTCACCTACCAAGAGGATTTCTCAAC  
ATCAATGGGAAGACTGAAAAAGAACTTC

>trans\_c\_12246X76056|*N. sylvestris* DNA for spacer region between 25S and 18S ribosomal RNA genes

TTCATTTATTATGTTCTACCAAGGGGAAGGGGTGGAGGAGGAGATTTGAGATTGGTGTCCGTTGTTGTGGTG  
GTCGAAGTTGAGATTTGAAGCGAAAGCTTC

>trans\_c\_12247GU397052|*Begonia thomeana* voucher Glasgow Botanic Garden 05407997  
photosystem II 47 kDa protein (psbB) gene, partial cds; chloroplast

AAAGTAGTCGCGGAGCTCGAAACCGCACAAACCGTAACTCGCTAGTAGCCTCCTACACCGAGTCTAAACACAA  
TATGTGCTCCGGCCACACCTTCGTAACCTC

>trans\_c\_12248EF571302|*Glycyrrhiza uralensis* ATP citrate lyase alpha subunit (acla) mRNA,  
complete cds

TTGGATCTTCTTGCTGGTAGTGGAATGTTTCAGCAAACAAGAGATCGATGAGATTGTCGAGATCGGCTATTTGA  
ACGGTCTGTTCGTGCTGGCTCGATCTATA

>trans\_c\_12249XM\_001703313|*Chlamydomonas reinhardtii* autophagy protein (APG7) mRNA,  
partial cds

AAGTCGGCCAACACTTGCGCCATACCCGCTTCTTGGGAACCTGAACGTAAACCTGCAGGCGGCAGGAGGTTT  
GGTGCCGGTAGCGAGGCGGCGGTTCACCCA

>trans\_c\_12250XM\_002326412|*Populus trichocarpa* heavy metal ATPase, mRNA

AAAGTGCAAAGACGGGCATTCTTGTTGCATGTGATGACAACTTAATTGGAGTTGTGGGAATAGCAGATCCTTT  
GAAGCGAGAAGCTGCAGTTGTTGTTGAGG

>trans\_c\_12251Novel Gene

AATTGGCTAAGGGTATGGGTCATACGGCGGCATTCTCCAAATACGTAAACCGTCGAGGGGCGCGCGGGGG  
AACTGCTGACGGAGCTTGCAGCGGTACGTGC

>trans\_c\_12252AY104481|*Zea mays* PCO077711 mRNA sequence

AGTCGATGAGTTTTTTCACATTGTTTTATCTGGACGTGATGAATTGCTTTCAAATCTTAGAGCAAGTGAAACAG  
TATTTGCTCAGGGAATGGGGGGGAGTGT

>trans\_c\_12253Novel Gene

ATTCCTAGTAAGATATCTGACGACTAGATATGGTCAGCATGAAAGTAAAGGGTGACACAATAAATGATAGA  
AGCAATCGTGAATGGTCCGGTGAAGTGTTT

>trans\_c\_12254AY258007|*Nicotiana tabacum* TGB12K interacting protein 2 (TIP2) mRNA, complete  
cds

ACCACGGGCACTCCCCACGAAGGAGATCTACCGGTTAGCACCTCATGTTGGTTGTTTAGCTTGCCAACATCG  
ATGGGAGTCTTTCCATCCAAGTTTTGGAG

>trans\_c\_12255NM\_119156|Arabidopsis thaliana tRNA-splicing endonuclease positive effector-related (AT4G30100) mRNA, complete cds

TCTAACTGATCCAGGTCTAGGACTCGAAAGAACTGCCACATCACCTCCTTGAATGACCATTACACTCGTTCA  
CAGGAAGAACTATTACATCATACCATCC

>trans\_c\_12256AY685670|Gossypium arboreum ubiquitin-protein ligase mRNA, partial cds

ACCTTTGGCCGACTATCCTATTGGTATAGACTCATTGCCGTTAGCAGGAAGAAGAGGGGCAGGTGATGGCCG  
TTGGACTGATGATGGTCAACCACAAGGAGG

>trans\_c\_12257Novel Gene

AAAGGTCTTAGGCGGGGATGCCTTTTCCAAAAGCCGAACTAATCAAAATTCCTTTTACTTGAGCGTGTTGA  
GTCAATGATGGATTATTGTTCCGGTGTG

>trans\_c\_12258NM\_001065502|Oryza sativa Japonica Group Os07g0165200 (Os07g0165200)  
mRNA, partial cds

GACGTTCAAAAAATTGGCCTTCTGGCTCTCGATTGATAGCTCTGAAACCCGAGAGACCTGTGTATGAAGCACT  
TTACCAAGTACGTGCTACACCACAGAACA

>trans\_c\_12259NM\_001055516|Oryza sativa Japonica Group Os03g0151100 (Os03g0151100)  
mRNA, complete cds

AGCCCTGGTTTGCATGCTGCTGCAGGACCTGGTCTATTAGACGAATGTGGAACACTTGGTGGTTGCCGCACAG  
GAATGGCAAAAGTCACTAATGCTTACGTT

>trans\_c\_12260AL161562|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 62

TGGTCGTCCTGAGAATACATGACTACCATTTTGGGTATTCACCTATAAAACAATCCATATCCACGAAAAGAAGA  
TCATAAGTTTCGAGAAACGGGGGGGGGG

>trans\_c\_12261NM\_001061236|Oryza sativa Japonica Group Os05g0156900 (Os05g0156900)  
mRNA, complete cds

AGGACGGTCACTCGTGCTCACAGTTGCAGTCGTTTCGTCATGGTCACTCAACGTAGACACTGGAGGGCCATT  
GGTTCAGGAAGCGTAGACAAATCTTCAAT

>trans\_c\_12262Novel Gene

AGGAGGCATCTATTGGATTGGATCTGGGAGCAAGCACAGTTTCTGTTGACAAAGCAAGAAGCCCTTCACCCTT  
TAGAGCTAATTCGCGACTACGTTTGCTTC

>trans\_c\_12263Novel Gene

GGGATGTTGCGGACGCTAAACAGAATAGGTATTAGTTTGATAATGGTTGGAGCAGCAAACCTCGGATTCGGCA  
AGAATCTCATTTGTGGGTAGTACGAAGAGG

>trans\_c\_12264XM\_002309092|Populus trichocarpa auxin influx carrier component (PtrAUX1),  
mRNA

CATCGCTTGTGCAAGCAATATTTATTACATCAACGATCATTTGGACAAGAGAACATGGACTTATATTTTGGAG  
CTTGAACACGTTGTTGACAAAACACTTT

>trans\_c\_12265Novel Gene

TTGGACGAACTTGAAATGATACATGAAAAGGCAACCAACAAGATTGCACTCTTAGAAAGTGAGATTGTTCTTT  
GAGGACAGACCAAGAGTGCGGCATCACCA

>trans\_c\_12266EU755271|Volvox carteri cytochrome b6 (petB) gene, complete cds; tRNA-Leu (trnL)  
gene, complete sequence; and ATP-dependent Clp protease proteolytic subunit (clpP) gene,  
complete cds; chloroplast

GATATATATTTTTACTCTATTTATAGATGTCGAAAATAGACAAATAAAGATAAAGAGGATATTTATAGAAATA  
TGTAAGGATGTATATAGATATGTAAAA

>trans\_c\_12267AY220483|Nicotiana tabacum Avr9/Cf-9 rapidly elicited protein 276 (ACRE276)  
mRNA, complete cds

AGTGACCATTTCTACAGGTCAGACATACGATCGCAGCTCGATTACTAGATGGATGGAAGAAGGGCACAACAC  
TTGTCCAAGAGTCAAATGGGACGAATAAGG

>trans\_c\_12268NM\_001055960|Oryza sativa Japonica Group Os03g0223700 (Os03g0223700)  
mRNA, complete cds

CTACAGCCCAGTCGACAGATCAGTAACAATATCCTTCACAAGACGATCCAAGAGATGAGCAGCACTTTGTACA  
TTGGCATCTGAATCAGCCGAAAGCTTACA

>trans\_c\_12269FJ046090|Pinus taeda isolate 1666 anonymous locus 0\_11297\_01 genomic  
sequence

TGAGCAATCCTCAGATGCGGGATATTATTGACAGGAACCCAGAGCTTGCTCATATACTAAATGACCCTGGTAT  
CCTTCGACAGACACTCAGTTAGCGAAGCC

>trans\_c\_12270Novel Gene

CAGGAATCTTTTCACATCCCGCCGCCCAACCTCCGCGTGTGCGACCCATCTCGGTGCGCGTGCCTCGGTGAA  
CTGAATCCTTATGGTAGTAGAGCTTTTGG

>trans\_c\_12271XM\_002305653|Populus trichocarpa oligopeptide transporter OPT family, mRNA

TTAGGATGGATAATTGGTTTTCTTTTCATCGTCAGCTTTCTCGGCCTCTTCTCGGTTGTTCTTTACGGAAGATA  
ATGATCGTAGATTTCAGTTGACCCGT

>trans\_c\_12272Novel Gene

AGACTCAGAAAGTGCTTCCCTTTTCAGAACTTGCTGCTGCTTTAGAAAATCGAAAGGCTCCTACCGTTATGCCA  
CGCCGCTATAGCACGAGGTACCCGCTAC

>trans\_c\_12273NM\_121978|Arabidopsis thaliana pectinesterase family protein (AT5G19730)  
mRNA, complete cds

TAGGGGCAAATCCCGAGCGTTAGGTGCCAAAGAAATTGAAGCATTGGCGATCGAATCAGTAACCATGATTGA  
AGAGTTGAAATCGAATTGAAGGAACAACGA

>trans\_c\_12274NM\_001069845|Oryza sativa Japonica Group Os09g0446800 (Os09g0446800)  
mRNA, complete cds

ACAGCTGCCAACAATCTCTTAGCTGCTGCTATTGATACCCGAATTTTCATGAGGCATCGCAGTCGGATAAGGC  
TCTTTTAATCGCGAGGTAAATTACCGT

>trans\_c\_12275NM\_001161191|Arabidopsis thaliana ribonuclease III family protein (DCL3) mRNA,  
complete cds

CGAAGGCGATGTACTCGTTATGACCCCCAAATTCTTCTTGATGCACTGAGGAAGGCATATTTTAGACTGGGA  
ACCGTATGCTTGATGATCATTGATGAATG

>trans\_c\_12276NM\_001055638|Oryza sativa Japonica Group Os03g0169800 (Os03g0169800)  
mRNA, complete cds

CCTCGGAGACCTAAAATTCTCTCCAATGACTCAGTTTCCAACATAATCCCCGGAGCTTTCCTCATAGTGTGA  
AGCAGCAATGTTGGGATAAGGCCGAGCC

>trans\_c\_12277AY261522|Suaeda maritima subsp. salsa vacuolar H(+)-ATPase subunit c mRNA,  
complete cds

CTCTTGACTGACCAGCTCGGGAGGAGAGAATAATACCAACAATAAGTCCATTCATAGTTATATTGATCATTAG  
GGCCTCTTGAATCTTCTATTTACCTATT

>trans\_c\_12278Novel Gene

CTGTCCGCTCTCCGTTGGGCACATTCCCAGCCTCTCCCGTTAGTGAGTAAGAATTTTGGTCGTAAGAATTCT  
GGTCTCTTATTTCTGAAGAGGGGAAAGG

>trans\_c\_12279BT021143|Arabidopsis thaliana At5g20130 gene, complete cds

AAAGGGTGAAGTGTGCTTGCTGTTATTTCAACCCACTGCTTATGCTTTGCGAGGAACAAGAAATGGATTGA  
CTTTTGTAAGTTCATTTTCGGGTCAGGG

>trans\_c\_12280AY106903|Zea mays PCO102102 mRNA sequence

TATAATCAGCGATACCATCCTCTGAGCCATCCATATCATAGTGACATTCATTTTCTACGGAACAGGCAGCAAGG  
TAGGGGTGGTCCGCCTTCACCGTTGCA

>trans\_c\_12281NM\_203001|Arabidopsis thaliana PDK1 (3'-PHOSPHOINOSITIDE-DEPENDENT  
PROTEIN KINASE 1); 3-phosphoinositide-dependent protein kinase/ kinase/ phosphoinositide b>  
(PDK1) mRNA, complete cds

ATCTCTGAACATTGCCACCATAGAAAGCGTTGCCCTGAATCATCAACTTGGCATCAAAATCCTTCTCCATTGCCA  
ACATCGCTATCTACAAAACCCCTTTT

>trans\_c\_12282XM\_002886818|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata RNA polymerase beta subunit-1,  
mRNA



ACTCCTGCCGCAAATTTTGTGAACAATGCGGAGTCGAATTTGTTGATTCTCGGATACGAAGATATCAAATGGG  
CTATATTATATCAAACGTACCAGTGGTTG

>trans\_c\_12283AY189086|Meryta sinclairii 26S large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGTAAACCGAACCAAACACCAATACCAAGCTATAGTGAAGGTCCCGGGTCTTTTCGTCCTGCCGCGCGTAA  
CGAGCATCTTTACTCGTAGTGCAATTTTCG

>trans\_c\_12284AY109995|Zea mays CL9999\_1 mRNA sequence

ACACCACATTATATAACTTGGTATTGTCCACAAGCATTCTAAGCAAGCAGTGCAAGTCCCAATGTATCAA  
TCAGGGGAGGTATTGTGCTCCTGACTTC

>trans\_c\_12285CP000586|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 6, complete sequence

CGTAGAGGAATCCATGTTCTTACAGCTTCCTTCACTCACCGTCCGACCTACCGTTCTCATATCATATTCATACTC  
CAGGTTGAAGAATTTCTCTGATGTGGA

>trans\_c\_12286NM\_001065521|Oryza sativa Japonica Group Os07g0169600 (Os07g0169600)  
mRNA, complete cds

TAATTACTTTGTGCCGTTACCGGTTCCGGCGCGGCCAGAAACGGGCGGGCGGCGAGCGTGGCATAACTCGTG  
GAGCGTTCGCACCTAGGGGGCCGGCTGCGG

>trans\_c\_12287CP001333|Micromonas sp. RCC299 chromosome 15, complete sequence

TTTTATGTGTGGTCACAACCAGGGGAAGCTCGCGCGGGTTGGCCGCTTGGATACCTCTCCAGTCCCCCAAATC  
GCGCCCTGGACACCTAGCCGGGCGTCTCTG

>trans\_c\_12288NM\_001069879|Oryza sativa Japonica Group Os09g0453400 (Os09g0453400)  
mRNA, complete cds

AAGATGAGGAATTTGTGTTAGAGCCAATTGCTTATGAGATGGAACCGTTGCTAGTGCCTGAAGGTTATGTGTA  
TGTAATGGGAGACAACCGTAACAATGACC

>trans\_c\_12289X79278|M.sativa Rab mRNA

TCTCTCTATTCTCCGCGGCTGGAGGGAGGGCTTCAGAAAAATGTCTGCTTACAGAGCTGAAGATGACTATGA  
CTATCTCTTCAAGGTCAGATATGATCTCA

>trans\_c\_12290NM\_001053527|Oryza sativa Japonica Group Os02g0525400 (Os02g0525400)  
mRNA, partial cds

CAAGTGCGGTTGGTGATCCACTTTCAGGACGGATGCTTCTGTTTGATGCTTTAGCAGCGAGGATCAGAATTGT  
ATGTTTCACAAGGCGATAATGTTCTACAA

>trans\_c\_12291Novel Gene

CCCACCAGTCCAGTAGTCTATTTTTTTAATACTAATTACCCACAAATTGAAGATAAAATTGAGTCAGAAGATCG  
AAGAAGTACGGACAAGGGGAAAGGCTGA

>trans\_c\_12292NM\_115624|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT3G57640) mRNA, complete cds

TATGTGCATTTCAAGGTTTAAAGATAAAGTGGGAGGAAATCGACTCTGTTGGAAGCACATATCATTGATTGTC  
TAGTGATGAAGATTTTGACTCAACCTAGT

>trans\_c\_12293DQ369931|Zea mays cultivar line Z27 internal transcribed spacer 1, partial sequence; 5.8S ribosomal RNA gene, complete sequence; and internal transcribed spacer 2, partial sequence

GTCTGCTCTTGCCGCTTCACTCGCCGTTACTGAGGCAATCCCGTTGGTTTCTTTCTCCGCTTATTGATATGC  
TTAAGTTCAGCGGGTATCCCTACCTGA

>trans\_c\_12294AY570700|Ostreococcus tauri AGPSU1 (agpsu1) gene, complete cds

AATCAAGCTTTGCTCAACCGAGGATATGTTTTATGTGTCCTGCATTTGTATTAGAACTATTTATGCATATGAAGT  
TGGTTAATGCTTTGCTGAATGTTTCCA

>trans\_c\_12295NM\_001067254|Oryza sativa Japonica Group Os07g0691800 (Os07g0691800) mRNA, complete cds

AGAGATTAAAGAAGCTGTTGAGTTGCCATTGACTCATCCTGAGTTATATGAGGACATTGGTATTAGGCCTCCC  
AAAGGTGTGATACTCTATGGTGAGCCAGG

>trans\_c\_12296FM208246|Osmanthus heterophyllus chloroplast tRNA-Ser gene for transfer RNA-Ser and tRNA-Gly gene (partial) for transfer RNA-Gly, isolate RJBM 261-82

ACCCAGCGGGTGGGCGCACAGTAGTAATATTCTTTGTTTCTCTCTTCATTTTCGGATTCTATCTAATGACCCGG  
GACGTAATCCGGGGCGTGAAGAATAAC

>trans\_c\_12297Novel Gene

TATGGACATCATTTTAGCCAAGCTGATCGTAGTCCATCCCATCAAGCAGGAAGCAAGTTTGCATCTTCTATTGA  
TAGATGAAAAAGAAGTTCCGTTTCTTTT

>trans\_c\_12298Novel Gene

AAGGACAAAATGTGCTAGAAAAAGCTTGAATCCAAGTTGTGTAAACCTCTCTGGCTTCAGAAGACGTAAGATC  
TTGTGTGCTAGAATCAAAGCTAGAACCAG

>trans\_c\_12299Novel Gene

AACCATGTTAGAAGCTTTGACATGCATGCAACTTGTGGCTCAAAGTTTTGCTTTTGGATCGAATGTTATGTTTA  
TACCCTAGGGGGCTTCCCGAATCCCTCA

>trans\_c\_12300AJ491150|Spinacia oleracea partial mRNA for phosphate hydrogen transporter (phtc gene)

AAATACAAGTTTCACTACCACGTAACACATTTTGCTTCCAAGTACTACAAGATAAATCCATGGTTCCAGGAAAT  
GAGTCAAGTCTTTCCAAAACCCAGTGTT

>trans\_c\_12301GQ998646|Plumbago auriculata voucher FLAS:M.J. Moore 306 23S ribosomal RNA (rrn23) gene, complete sequence; chloroplast

TGACAAGAAGCGCCGCTCCTCTCGCCTGATCTCAAGCACCGAGGACTATGAGAACAGAGGCTTTGTTGAAGG  
TCGTTTCGAGCTTTTCCTGGGAGTATGGCAT

>trans\_c\_12302NM\_118727|Arabidopsis thaliana epsin N-terminal homology (ENTH) domain-containing protein (AT4G25940) mRNA, complete cds

GATGTCATGCAGAAACTGATAATGAACCTTGTTTCAGATGATAGTTCTGAGGATGTGGATTCTTCAAATTGGA  
CAGATGAGAGAGGAACAGCTCCTCGTACT

>trans\_c\_12303FJ424436|Peperomia maypurensis 18S ribosomal RNA gene, partial sequence; internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence; and 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

GGGGCGCGCGGTAGTTTTTCTGGAATATAGGGGAAGAATGACTGTACGGCCAAGGCGATGTGCAAGTGCC  
GTTACATGGAACCTTTCCCTCTTCGGCCT

>trans\_c\_12304XM\_001698743|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

AATGGCGGAGATAGTGGGGGATGAGAAATCCAATTTGGGTAAACATCATATATTCTGAGGGTTGTGTTAAGG  
CAGTTGTGGAAACGGTGTTTTGGGATGGAC

>trans\_c\_12305XM\_002871556|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nodulin family protein, mRNA

CTCCTTCTGCGGCTGCTTGCAATAGTTTTGCTTGCAACTGAGCAATGCGTTTTGTCTCTCTGATGCAGGAAGT  
AAGTCCTCTCCCTCGGATTTTTCATCTT

>trans\_c\_12306CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

AGGGTAGAGTACTTTGATCTCTTTGATTTCTTTCTTTATCTAAAATCTTGTTATATTTTCTTCTCTTTCTTGTT  
CTAGGGGGTGGTGGTGGTCTGTG

>trans\_c\_12307NM\_001072333|Oryza sativa Japonica Group Os11g0157400 (Os11g0157400) mRNA, complete cds

AAGCTGGAAGATGAGTTCAGACAGCTATTATCTTCCTACAGCAAACCTGTGGAGCCTGAGCGTCTTTTCGATT  
GCCTGCCAAATAGCAACGTGTTGCTCCTG

>trans\_c\_12308EF151310|Gossypium hirsutum polygalacturonase-inhibiting protein (PGIPL) mRNA, complete cds

TTGAAAGGACCCATCCCGGAATAAGCGATTTGAATCTAAGCCGAAACTACCTAACCGGAAACTTACCGGACAT  
TTTCGGGCAAACCAGCATGGGTGTGACCA

>trans\_c\_12309AY094417|Arabidopsis thaliana At1g50660/F17J6\_18 mRNA sequence

GCAGTCTGGACTTTAGAAGCATGATTAGGTGGGCTGTACGTAATGCACTGTCCGATTTCCCTCTCATTCGATTC  
TCCAAAATTAACATCTTCAAACACAGAG

>trans\_c\_12310AF492022|Cistus incanus subsp. creticus geranylgeranyl pyrophosphate synthase (GGPPS1) mRNA, complete cds

TTCGTATTAACAGCTACTCTAGAGAAGGCACCCCGCATAACATCGGCAGCCCGGCGGTCGCTCCCACGATCT  
CGAGGCACCCTGACCCGCATCTTATGGAT

>trans\_c\_12311Novel Gene

CCGGCGTTTACCCCTATGGACCCTCAAAAATAAATGCCGATGCACGGCGCGTTGGAGCCTTTGAGGTTAGCA  
GGCTGAAGCATTTCGATGTAGGAGGTAAGT

>trans\_c\_12312EF123256|Vitis vinifera aspartic proteinase mRNA, partial cds

GAGTCGTGAGCCAGGAATGCAAGGCTGTTGTTCAACAATATGGGCAAATATCATGGATTGCTTTTATCTGA  
GGCAGATCCGAAGAAGATCTGTTCTCAA

>trans\_c\_12313X64398|N.tabacum parC mRNA

ATGCTGAATTTCCCTATTGTCTCATATGTATAGAACCAGCTGTAAAATCCAATCAAAGCAATGTCTATAATTCCC  
ATACTTTCACCTCCAAAATAGTCCTTT

>trans\_c\_12314Novel Gene

CCCTACCCGTATTATTATAAGCAAATAACCAATATCAAGAAACAAACCCGAATTTATCCGTACTAGAACGATAC  
TTCCTCAATCGTCGTAGAAATGGATGTA

>trans\_c\_12315Novel Gene

CATGGAAGCAAAAGTTTCTCGGGGATCGTATATGTTTCAAGGTCATTTTCTGAATCCAATTTGGGTGCCGCCCA  
TAGCGCGTACAGTGTCTTCTTATAAGAA

>trans\_c\_12316XM\_002873919|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2734, mRNA

CAGGTTGGTGATTGTTTGGGAACCTTTGATCAAGACTTTTAAGGCCTCATTCTTGCCTATGTTTGATGAACTCGC  
ATCATATTTGACACCTATGTGGGGTAAG

>trans\_c\_12317XM\_002309629|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit (CHR911), mRNA

AAAGAAGATGCATGCCAAGCTTGTGGAGAAAGTGAGAATCTTCTCTTGTGAAACCTGTACATATGATTACC  
ATCCTAAATGTCTTATTCCACCCTTGGGG

>trans\_c\_12318XM\_003079926|Ostreococcus tauri sporulation protein-related (ISS) (Ot06g03590) mRNA, partial cds

AAGAGTCATCCCTTCCACGTGTCAAGTTTCATAAATTCATGCTGCCTCAACCATAGGCTTTTCTCAATTCTATG  
TGGCCGCCGGGCGCGCGTCTTGCGACT

>trans\_c\_12319XM\_002298772|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE906), mRNA

GGTGAAGGAGGGTGCCCTTCCAAATTCGCTAACCACTGTTCGGCCAATACGTGAACTTCATGACCCTTGGGG  
TTGTACATCATGGCATTGTTAAATGTTAG

>trans\_c\_12320Novel Gene

CCCCCATTTCGGCCCTTAAACCCCGGATTTAATATTTATTATTCATACGTATATAAGTCTTTTTATTATTTTA  
TTATATTTTATATATATATCGAGCG

>trans\_c\_12321GQ997109|Aucuba japonica voucher FLAS:M.J. Moore 327 RNA polymerase beta  
subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

GAGAATGTCTACAATACCTGCGTTTAATCAGATACAATTTGAAGGGTTTTGTAGGTTTCATTGATCATGGCTTAA  
CAGAAGAACTTTCTAAGTTTCCAAAAAT

>trans\_c\_12322AL161573|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 69

TTTGCTGACCACCAATTGCCATCAAATGAAGAGTGGACAAAACAGATGCTCTGATTCATTCTCTCTAAGATGA  
TTAATTTGCCTAAGTGGTTTATCTTGAA

>trans\_c\_12323Z70241|Olea europaea cox3 gene (RNA editing)

AAACAGTGTGTCCCGGGACTTCGATATGGTTTTCTCTCTTTATCGTATCGGAGGTTATGTTCTTTTTGCTTTTT  
TTTGGGCTTTTTTTCATTCTTCTTTT

>trans\_c\_12324XM\_002314779|Populus trichocarpa white-brown-complex ABC transporter family,  
mRNA

CGATGGTGCAATATCTCGTGCTCTCTCTGAGAAATCTTCTGAATCAGTGAGATGGCTTCTTAAGAATGTTAG  
CGGAGAAGCGAAACCAGAGGAGGGCGGG

>trans\_c\_12325AC092750|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare from  
chromosome 10, complete sequence

ACACCTTTACAACGGAACGGGTATATGGTGCGATCCGGCCCAACACGTAGAACAAATAGGGTGCGGGCCCCCG  
TCAATTCCTTTGAGTTTCATTCTTGCGAAC

>trans\_c\_12326AP009372|Crucihimalaya wallichii chloroplast DNA, complete sequence

AAGGCCCCCCCCAAAGTAAATGTCCCCGCCATCCGCCCCGTTCTGTGGAGTTGAAGGGAAATATCCAAATACA  
TGTCTTATTTTCAATAATCCATATTTGC

>trans\_c\_12327Novel Gene

GTTGCGGCGGCGAGGAGCAGTATAGACAACTTCTTTAGCCCTCTTCTTCCAACAACCTAGTTGACTCTTCCA  
AAGAACCACGCGGAGAAGTCTGTAAAA

>trans\_c\_12328Novel Gene

AAACACCACGTGAATCTCCTCTATCTTCTTCTTCTTCTTCTGATATCTCTGACTACAACCATGGTGAAGATTC  
CGGTCCCGTGCAATCAGGAATCGTCT

>trans\_c\_12329GQ916666|Nerium oleander 23S large subunit ribosomal RNA (rrnL) gene, partial sequence; chloroplast

CGGCGAAAGATGGTTATCGGTTCAAGAACGTAAGGTGCCCTGCTTTTCAGGGTAAGAAGGGGTAGAGAAA  
ATGCCTCGAGCCAATGTTGAGTACCAGGC

>trans\_c\_12330AF237733|Arabidopsis thaliana callose synthase 1 catalytic subunit (CalS1) mRNA, complete cds

AAGATACCAATAGCATTGGATATGGCCAAAGATAGCTATGGAAGAGACCGGGAGGGGGAGCTTAAGAAGAG  
ATTAAGTACAGACAAATATATGCTCTGTGCT

>trans\_c\_12331Novel Gene

AGAACGTAGTCGTGTGACCAAGGAAAAATCAACACATCATGGATATAATCGGTCACATTGGAAGTCTGAAATT  
TCTGAAGCAGGAAATGAAGTTTTGACAAA

>trans\_c\_12332M81725|Oenothera berteriana NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons 1-2

GGAGTCGGCGTGGCGTAAAGTGAAGATTGAGGGAAGTAGAGCGAAATTCCTGATGGGGTATTCCGAAGGT  
GTAACCTAGGCATGTCCTTAGGATAACGTTA

>trans\_c\_12333Z11882|S.tuberosum U1snRNA variant gene U1-10

CGTGACGTAGGCTCTGCACACGTGGACAGACCTTAAGCGGGCACCCCTCCTGTATGTGCAATGGAGGTCACC  
AACCTAGGCTATGGGTCTTCTTGATCGCCC

>trans\_c\_12334FJ472991|Dimocarpus longan isolate FR3601 transaldolase mRNA, complete cds

GAAGGATATTCAAGATGCATGCAAACTTTTTGAGCCTATCTATGATCAAACAGATGCTGGTGATGGCTATGTTT  
CAGTCGAAGTGTCTCCAAAGCTTGCTGA

>trans\_c\_12335Novel Gene

GACTTAAGTCAAAAGGTATGATATAGCAGCCTTTCCGAGCGAGCCTCTGGGATCTCCTGTAAACCCCCATGAT  
GTGGTAAAGGGAGGATCGGCTTTTCCTAC

>trans\_c\_12336XM\_001690376|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

ATGTTCTCTCCATTTGATTTTCCTAATCGTTCTCAACCCGGTCGGTTTTGCAGCTATCCCATCGCCTTTGGAGG  
CTTAGGTATATAATACATCATCGGTGC

>trans\_c\_12337AY078063|Zea mays B transcriptional activator (b1) gene, b1-B' allele, exons 1 through 3 and partial cds

CCAAAACTTCTAGTAGAACTAATTTGGCAAGTGACAATGAAGGTGGATTGATTCCAATTCCAATAGGTCTGGG  
GGATTTCGTTTCGAGCTGCCGATGGGTTTG

>trans\_c\_12338FN674516|Quercus x morisii chloroplast partial tRNA-Lys gene and matK gene for maturase K, country Italy, Apulia

GTAAATATATCTTTAGGGAGCGGACAAACGCGAAGGACTGTACCATTAGAGCTTCTCAAGTTCTAAATATCCT  
TTAAATTCCTCCATTTAAAATTTTCGGGG

>trans\_c\_12339XM\_002864800|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2746, mRNA

TGAGCTTTTCGTTGATGAGAGACTAAAGATTGCAACAGATGGCATTATAGTAGTCAGTATGGAAATTTGCGA  
CCTCAAAGTGTAGATGGTTTGGGCAAAGT

>trans\_c\_12340Novel Gene

ATTCCTAGTAAGATATCTGACGACTAGATATGGTCAGCATGAAAGTAAAGGGTGACACAATAAATGATAGA  
AGCAATCGTGAATGGTCCGGTGAAGTGTC

>trans\_c\_12341AM117813|Populus tremula x Populus alba mRNA for beta (1,4)-xylosidase (BXL2  
gene)

CGGTGCCGCGGCTGGGGATTAGAGGGTATGAGTGGTGGTCGGAAGCTCTCCATGGAGTTTCTAATGTGGGTC  
CCGGTTGATTTGGGTTGTTTGGGAGGGGAC

>trans\_c\_12342NM\_125688|Arabidopsis thaliana Dof-type zinc finger domain-containing protein  
(AT5G62940) mRNA, complete cds

TGCGAAGCAATTGGACAATGAGAAACATGAGCAGGTCAAGATTGTCATCAGACCTAGGCCCAACCCTCGTGA  
GTTCCGGGAGTAACCGTTTCTCCAGTGTT

>trans\_c\_12343Novel Gene

CAAGAAACTTGGAGTGAATTCACATACCACTTGGCGAGCTCGTCGTTGACGGGAGACGCGGGGGCGGGCTT  
TGGCTTGGACGGTGCTGCGGGCTTCTTCCC

>trans\_c\_12344XM\_002317493|Populus trichocarpa light-harvesting complex II protein Lhcb3  
(Lhcb3-2), mRNA

CAACTTGGTCCACGCCCCAAGCATTCTAGCCGTGTTGGGGTTCCAAGTCGTCCTCATGGGTCTAGTAGAAGGG  
TTCCGCATCAACGGTCACTGGTGGCCAA

>trans\_c\_12345AB232324|Arachis hypogaea plda2 gene for phospholipase D alpha 2, complete cds

CGAGGCTATATGCAACCATTGATCTTGAGAAAGCCAGAGTTGGAAGAACAAGAAGGCTTGAAAGAGAACATT  
CAAATCCAAAATGGCGTAGGGTCCCTTGCG

>trans\_c\_12346Novel Gene

TGTCAAATATATATATCAGCAGATTACAAATCAATCTAATAACAATGGAGTCAAGTAGAGCCAATCCTTTTCCC  
GAGGTTACGGAAATTTACCTCTGACTA

>trans\_c\_12347NM\_001058380|Oryza sativa Japonica Group Os03g0839900 (Os03g0839900)  
mRNA, complete cds

CACGGACATCAAGACGAAGCGTCTCGAAGAGAATCAAGAGCCCGAGAGCTTCAACCCAAAGGACACGGAAA  
GTAAAGAACTAACGAATTGGAAATGAATCA

>trans\_c\_12348DQ286548|Pyrus pyrifolia ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase small subunit-like gene, complete sequence; plastid

CATCATAGGACCACTGGACACCAAGAGTGCCATTTGCTTAGGTGACACTTACAGCTTAAGTTTGCAGGGAATC  
CATCCCTTCCTGAGAAGGTAGTCAACTTC

>trans\_c\_12349XM\_002876086|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata myb family transcription factor, mRNA

AGAGTTGCATCTCCTATAGAAAGCCCTTCTGCTGAAGCTACTGCCTGTGTGACATCTTCTCTGCCTTCTGAAGA  
TACAATTTCTAGGAAGAAACCAAGGCTT

>trans\_c\_12350AY151271|Glycine max cultivar Wenfeng7 purple acid phosphatase-like protein (Pap3) mRNA, complete cds

CAGAGCAAAGTACAGCATATCAACCTTGGATTTGGTCAGCAGGAAATCATGAAATAGAGTACATGCCTTACAT  
GGGTGAAGTTGTTGGAAAGTTTGAAGCGC

>trans\_c\_12351NM\_001064234|Oryza sativa Japonica Group Os06g0498400 (Os06g0498400) mRNA, partial cds

AAATTCAAGCTTATATACGTTGGGAGAAAGCAGGGAAACCCAATTTTTCTCCTGAGCAGCAACTTAGGGAATT  
TGAAGAAGCAAAGACTCTCACTCTGTCCC

>trans\_c\_12352XM\_001420654|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 MC family transporter: phosphate (OSTLU\_26925) mRNA, complete cds

AAAGGACCTTGGAACAATTCGTCAGGGTTGGACACTGTTTTAGGTCTTTGAGGAGTGGTCGCCACGGCC  
ACCGGCTGACAGGTGTGGCCAATGACAACC

>trans\_c\_12353XM\_002873322|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata myb family transcription factor, mRNA

ACAGGGTGATAGTCCCGTACACAAAATGCACAGGTTGTGAACTCGAAGAGTAGGGCGGGACACGTGGTATC  
CTGTCTGACTATGGAAAATGGTACTCTAAA

>trans\_c\_12354Novel Gene

CTTGGGGGCCCTATATCCGCCTAAATAAATAAAAAATTGATAGATAACTAATCATTACTAATCCATCCGTATTGA  
TTCGTTTCCATAACCATAAAAAAATCCT

>trans\_c\_12355FN674516|Quercus x morisii chloroplast partial tRNA-Lys gene and matK gene for maturase K, country Italy, Apulia

GTAAATATATCTTTAGGGAGCGGACAAACGCGAAGGACTGTACCATTAGAGCTTCTCAAGTTCTAAATATCCT  
TTAAATTCCTCCATTTAAATTTTCGGGG

>trans\_c\_12356XM\_002329906|Populus trichocarpa glycosyltransferase, CAZy family GT8, mRNA

ATATACGACACATAATAGTTGCTAAAGGTGGCTTCCACCATTCTACTACAGAACTCGTCAATGCGTAGGTCCTG  
GGAAGTGTGTTTATCACGCAGACATCTG



>trans\_c\_12357AJ243463|Vicia faba mRNA for late nodulin (nod-CCP2 gene)

ATCTTCTTCTCCTCATAAACATAAAATTCTACAAAATACTCTTTTATTTATTCATTCATTTATTTATTTACTTTTCTT  
TCTTTTACAGCGGGAATATCCGGA

>trans\_c\_12358XM\_002955252|Volvox carteri f. nagariensis 1,4-alpha-glucan branching enzyme II  
(glgb7), mRNA

CAAATCTCTAATCCGTTTCATTTTCTTTGAATTTCCAGTCTCAATCCTCCAAAATCCATGGTTTCAGCGTCTTT  
GCTCGAACCCCATTTGCCGGGGCAAG

>trans\_c\_12359AY221087|Solanum tuberosum cellulose synthase (StCesA3) mRNA, complete cds

TACATAAACAAACAGCAAGGCATTGAGGGAAGCAATGTGTTTTATGATGGATCCAAACCTTGGCAAATATGTCT  
GTTATGTTTCAGTTTCCAGTTTCTAAACTG

>trans\_c\_12360EU526558|Coffea canephora microsatellite CaM03 sequence

ACAGAGCATCGATATGAAGATGGTGTACTGAAGGCAACGCGGCATGTGGTGGGCACTAAGGAAAGAGATG  
AAGAAAGCTAGACATTGAACTAAGAAGCAG

>trans\_c\_12361Novel Gene

TGAGATCTCTAGAAAACAGCTCACATAATGATTCATCGGAGGATCAAAGTAGTTCAAAGTCATCGGAAAAACC  
CTGGTTTCCCCACGGAAACCCAGTTCCA

>trans\_c\_12362NM\_001161247|Arabidopsis thaliana heavy-metal-associated domain-containing  
protein (AT5G19090) mRNA, complete cds

GGGGAGGATATTATCAAGGAATGGGACAAGGGAATCCCTACACCAACAACAACAACAGTATATGGCTATGA  
TGATGAACCAACAAAGGGGAGTTGGAGGCA

>trans\_c\_12363EF179153|Pseudotsuga menziesii ACC synthase (ACS2) mRNA, complete cds

GGATAGGGTCCCGTCCCTGCGATCAATCGCACTAGCGCGAAAGAGATGGTCTGAATCAATTTTTTTTTTGGGA  
TGGCCTGAGGCTCTCCCTCCCGGAAGTTT

>trans\_c\_12364Novel Gene

TAGATCACCCAGGTTCCGGGTCCATAGGATCAGACTGACGTGCAAATAGAGTTCAGCATAGTATCTACCTCTGT  
TGAACATTTCAATTTGTCTTCATTTCCCA

>trans\_c\_12365NM\_001036142|Arabidopsis thaliana aspartyl protease family protein (AT1G62290)  
mRNA, complete cds

TCAAAGTTACCGAGGGACCTGTAAGTGAATGCATCAGTGGATTTGCAGCTTTGGATGTTCCCCCTCCACGAGG  
ACCCCTCTGGATTCCAGAAAGCACCCCTG

>trans\_c\_12366AY042810|Arabidopsis thaliana Unknown protein (F10B6.14) mRNA, complete cds

GGCCCGTCTCTTATCAGGCATAGCAATCAGATCTTCAAGTAATCTTTGATTGATGAAAGTGTTTCCTCAGG  
AAGCTCCTGAACTATCTGAGACATGATT

>trans\_c\_12367NM\_128156|Arabidopsis thaliana KH domain-containing protein (AT2G25970)  
mRNA, complete cds

AAGCTAGGACTGGAGCACGTATCCAGGTGATACCATTGCACTTACCCCCTGGGGACACTTCTACAGAAAGAAC  
CTTACAGATGTCGTTGGACCTGTCCACTC

>trans\_c\_12368CP000585|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 5, complete sequence

CGTCAACTTACCTCTTCTGAGATGGAGAGTTTGGACCAGGCATGGCTTGAGGAGAATACAGATGTCTCGAATG  
CGAAAGTGACTTCGATGGAGGCAAATTCT

>trans\_c\_12369DQ396552|Morus alba diminuto (DWF1) mRNA, partial cds

AGTCAAAACCATGATATTTCCGGAACCAGGATTCGAGTTACAAAGTCGACAAGGCGACACGAAATATGCTCAA  
ATGTACACAGCGTGGTTCAGAGCAGCGTG

>trans\_c\_12370AY026667|Shorea guiso internal transcribed spacer 1, partial sequence

CGGGGGTGCGATCTCCATCCTCTTGGACCTCTCGCCTCTCCGGCCTTCGCAAACAACTCCCTCAGCCGAACCGA  
ACGCCGGATGTACCGGAAAATACAACAT

>trans\_c\_12371XM\_002501334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4 carbamoyl-phosphate  
synthase (CPS) mRNA, complete cds

GGATGCTGGGTATGAGACAATCATGATGAACTCAAATCCTGAAACAGTATCAACTGATTATGATACAAGTGAT  
CGGCTGTACTTTGAACCCCTTGACGGTTGA

>trans\_c\_12372XM\_002873251|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata phox domain-containing protein,  
mRNA

AGATGCACCATGAACTGCTAGCATTAGCCCAAGATAATCATGAAGTACATCCAAATGCCCTGTGACCTGAGCA  
TTGAGCTCTCGATATAATCTGCTTGCTTT

>trans\_c\_12373NM\_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,  
complete cds

GCCCAAGCAATGAACAAGATCATGAAGTCAAATCCAGCCTTGTATGTTCTGAGGGAGCGTATACGCAAAGGT  
CTGCAGTTATATTCTTCCAGATTCTGTGAGG

>trans\_c\_12374U09988|Glycine max Williams 82 mitochondrion NADH dehydrogenase subunit I  
(nad1) gene, exons D and E, partial cds, and maturase-related protein (mat-r) gene, complete cds

GTAGGAATAAAGAAGACTATACTACTTTTTAGGCCGACCACAATACAAGTCATGAGCGATAGCGAAGCCAAG  
CCGTCGCCCTATAGATGATCGAATCGATGA

>trans\_c\_12375NM\_113593|Arabidopsis thaliana AFB2 (AUXIN SIGNALING F-BOX 2); auxin binding /  
ubiquitin-protein ligase (AFB2) mRNA, complete cds

TCGTTAGACGACCAGAGTGCAACACCGGTGCACACCAAGGACACCGCGTTCCGGTCCCGGTGAGACGTTACA  
TAATCGAAAACATGTTCTAAACCTCGTCG

>trans\_c\_12376XM\_002869130|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein binding protein, mRNA

AAAGTGGTCTACTGGATCAGGTTGCAGAAATGTTGAAAGTCAACTCCAGTACATTAAACGATGTCTCAAACAA  
CATAACTGCTCCACTTTTCGGTAGAGAGGG

>trans\_c\_12377Novel Gene

AATGAGACGACTTAAGCGTACGACAAAACGAGTGCTACAACAGTCATTAAGTGCCTTTGCTTCGGCTCGACGC  
ATGAGTTCTTCACCAGATCTTGTCGGGGG

>trans\_c\_12378AY107129|Zea mays PCO086222 mRNA sequence

TGCAGACGACTTAGGCGTAATCACAAACGCGGTATTGTGTTCTGGAATTGCCGAAAGGCTATGCTCGTTATG  
TGTTGTAGTATTCCAAAGATGTTTGTGTC

>trans\_c\_12379FJ440631|Nicotiana benthamiana sulfite reductase mRNA, partial cds

TGAGCCAAAGCGTAGTAAGGTTGAAATTTTCAAAGAACACAGTAATTATATAAGATACCCTCTTAATGAGGAG  
TTGTTAACGGATGCCCTAACATAACCTA

>trans\_c\_12380AC002986|Arabidopsis thaliana chromosome 1 YAC YUP8H12R sequence, complete  
sequence

TGGAGGTTATTTGTTCTCTTAATCATGCACGGTTGGTGGTCTTGATGGCAACTGTATATGCTATATATTGTGT  
TAAAGTCTACATTGGATAATGCCACA

>trans\_c\_12381AP010820|Keteleeria davidiana chloroplast DNA, complete sequence

TAGCCGAAAGATGGTTATCGGTTCAAGAGGTACCCTGTTTTTTAGGGTAGAAAGGGGTAGAGAAAATACCT  
CGAGCCAATGGGATCACGGGTCGCGCGTAA

>trans\_c\_12382AJ400848|Spinacia oleracea complete chloroplast genome

TCATTTATGATAAAGAGGATGAGCTTCAAGAGAATGATTTGGAGTTCTTGCAGAGTGGAACCGTGCAGTACCA  
GACACGAGATAGATCTTCCAAAGACACTC

>trans\_c\_12383AY221087|Solanum tuberosum cellulose synthase (StCesA3) mRNA, complete cds

TACATAACAACAGCAAGGCATTGAGGGAAGCAATGTGTTTTATGATGGATCCAAACCTTGGCAAATATGTCT  
GTTATGTTCAAGTTTCTCAAAGATTTGAC

>trans\_c\_12384Novel Gene

ATAATTATAAGATACCTTTTATAACAATCACGCCCCGCACTTGCCCCAGCGGCCGCGCCACCGTCCCCGCGGCC  
TGATCTTGCGAACGGAGCGGACAACCTCT

>trans\_c\_12385AB353300|Lotus japonicus ACTK mRNA for ACT-domain-containing protein kinase,  
complete cds

TCAAGATCTGGAGGTCGATCAGTCTGTACATGCCAGAACACAGTTTTTCCGGCCAATGCATGAAATCACCTTCT  
CTACGGATGATAAGCCGAACTTCTTAG

>trans\_c\_12386NM\_103166|Arabidopsis thaliana EMB3003 (embryo defective 3003);  
acyltransferase/ dihydrolipoyllysine-residue acetyltransferase/ protein binding (EMB3003) mRNA,  
complete cds

TAAGGCTAGAGCCAAGCAACTGCAACCTCAGGAATACAACACTGGTACATTCACTCTCTAATCTTGGCATGT  
TTGGTGTGGATCGATTTGATGCAATTCT

>trans\_c\_12387GU902266|Gunnera sp. SM-2010 photosystem 1 subunit A (psbA) mRNA, partial  
cds; chloroplast

GGTCATTTCTCGAGAACAACTAGCTAAGGGTCCTGATACTACCACTTGGATCTGGAACCTCTGCATCAGCGCTCA  
CGATTTTCGATAGCCATACTAGTGATTG

>trans\_c\_12388Novel Gene

TGAAAATTTAATGAATTGTTTTTTATTTATTGAAATTTATAGTATAGATAAACGACCGCGGGCCAAAGGACAA  
AACTCATCCATTTTGGGGGTTTTTGCCA

>trans\_c\_12389Novel Gene

ACACCTCGAGTAAATCGCCAAGCCCATGTGCGCGAAGTGGGCGCCCCAATAGCATGGCTTTTTGCTACGACTT  
CTTTTTTTTTCAATTTACTTCATATTAC

>trans\_c\_12390AC092750|Oryza sativa (japonica cultivar-group) cultivar Nipponbare from  
chromosome 10, complete sequence

ATGGTCTTACGACTTTGCGGAGACCTGTGTTTTTGGTAAACAGTCGCCCCGGGCCTGGTCTCTGCGACCTCGTTC  
AGCTCACGGAGCAAGTCCGGTCACCAAG

>trans\_c\_12391AY108470|Zea mays PCO113322 mRNA sequence

CCCCGCAGCCTAGGGCCTTGTCTGGGCCAAGAGCCATAGTTAGTTGCTGTTTCCATTTGCTTCTTTTTTTCTCC  
AAACAAGATACGCCGTCTCAAAGATT

>trans\_c\_12392AY221087|Solanum tuberosum cellulose synthase (StCesA3) mRNA, complete cds

TACATAAACAAACAGCAAGGCATTGAGGGAAGCAATGTGTTTTATGATGGATCCAAACCTTGGCAAATATGTCT  
GTTATGTTTCAGTTTCCAGTTTCTAACTG

>trans\_c\_12393BT025569|Arabidopsis thaliana At1g03330 mRNA, complete cds

TGAGAAACTGTTTTATCAGGGGATCGGTTGTGAGATATGTTCAACTCCACCAGATGGTGTGATATCGAGCT  
GTTGCATGACGCCACTAGTATGTGAATCA

>trans\_c\_12394XM\_002873919|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB2734, mRNA

AATGACCAACGTTTCACAGGCTGAATCCCTTTTCAACCTCTGCAAACAAGCACACCCAGATGCTCTTGCTCTCAA  
ACTCGCCGATCTCTCCTGTTTCCTCATC

>trans\_c\_12395Novel Gene

ACCTGCACGAATGGCGTAACGATGGCCAGGCTGTCTCCACCCGAGACTCAGTGAAATTGAACTCGCTGTGAA  
GATGCAGTGTACCCATAATGGAGTGGAAT

>trans\_c\_12396AY942801|Cucumis sativus male-specific 10-2 (M10-2) mRNA, complete sequence

CCCTCCCGCGGGGATAGAAGAGAAAACAATCTCTCGGATTTGCTGCTACCTTGAGTGGTTTTGGCAGTTACC  
TTATGTAATTTTCATCAAGGGAAGGTTGAT

>trans\_c\_12397AL161537|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 37

TCAGTGTGGATTTGATCTTTTCCCATATGACTCGTTCCTTGAAGCCATATCGATCGTGTTACTTTTTACAATCT  
CTCCCTTTGCTTTCCAAATCTTATAG

>trans\_c\_12398AF050673|Gossypium hirsutum vacuolar H<sup>+</sup>-ATPase catalytic subunit mRNA,  
complete cds

TGTTAACAATTCGATCTGATTTCTTTCCGATCATTTCTTCCACAATGCCGTCTGTCTATGGAGCTCGTTTGACC  
ACTTTTGAAGACTCTGTCTTGTCCCT

>trans\_c\_12399Novel Gene

ACTTACAAGGATCTTCTTGAGTGAACGTTCCGGTGATGAGGTTGAAACAAACGACTCGTCCTGAAGAACTTGT  
ACATGAAGTTGCTGTATATGTTTCGGGTAA

>trans\_c\_12400AJ277086|Nicotiana tabacum mRNA for protein phosphatase 2C (PP2C1 gene)

AGAGATGGAGGATGCGGTGGCAGTTCATCCATCGCTCTGTTTTACGGAGAAGAAAGCCAATGATATGTTGCA  
CTTCTTCGGTGTTTGTATTCAAAGTGGGAC

>trans\_c\_12401AY106028|Zea mays PC0064808 mRNA sequence

TGTCTAGTGCTGTCATGTTCTCCCTGATCTTCTGGATTATATACGCAAGAGAACGACGACATCGGGTTTATACA  
AAGCAGTTTATTTCTAGAGCTCCTCCTC

>trans\_c\_12402NM\_101877|Arabidopsis thaliana hydrogen ion transporting ATP synthase,  
rotational mechanism / hydrolase, acting on acid anhydrides, catalyzing transmembrane >  
(AT1G20260) mRNA, complete cds

TGAGCGTATCATCACTCCTCGTATTGCTCTTACTACTGCTGAATATTTGGCATATGAATGTGGGAAGCATGTTC  
TTGTCATACTGACAGATATGAGTTCTTA

>trans\_c\_12403Novel Gene

AGGGGGGTTTATTCTTCTTGTGTTACCGTTCGGGATCTGGGCGTTCTTCTTCAGACAGACTTAACGGAGTAG  
GGTGTTTCATCTGTATCCACGAGTTCTCAA

>trans\_c\_12404BT006586|Arabidopsis thaliana At3g09570 mRNA, complete cds

AGAGACATCGAAAACCGATGGGAAAGCTGCAAGGAATTTGGCAAAGCTCACTCTTTTCAGGCAGTTCTACATT  
GTTGTGATTGGATATTTATATTTTACACG

>trans\_c\_12405Novel Gene

GATTTATCCTCTTTCCATGATCATGAGATGCAGCTTGATTTATCTTCAATTCATGACCAGGACATGCAACTTGAT  
CTTTCCACAATTGGATACCAGGAAATG

>trans\_c\_12406Novel Gene

CAAGATAAGGATGCCTTGAGGCAAAGATCAGCGCTTTTGCTACTGAGAAAGCGAAGGGTCAGCGCGAAGGTT  
CAAGACTTAGCCCTCGCAATCGCTTCATCT

>trans\_c\_12407NM\_124996|Arabidopsis thaliana KH domain-containing protein (AT5G56140)  
mRNA, complete cds

TCCTCCGTGCAATCAGCTCTACCACCACCACTTCGAAGTCCCTAACGGACGAGCAGAATATCGACAACCTCGT  
CCTTCCCAGACAGGAAGTGATTCTGAAGA

>trans\_c\_12408XM\_002875992|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

ACGGATAAAGCAGTAGAAAAACGAAGAGCTTTAATAGCATATATACCCCGCAACACCTGCGTAAACTGTGGA  
CCAGCTTGGGACAAGGACACTGCAAGATCT

>trans\_c\_12409NM\_179860|Arabidopsis thaliana F-box family protein (AT2G32560) mRNA,  
complete cds

GGAGCTGTGCTATGATCTCCGCACGGACACCTTCCAAGCAAGGTATCCTCCACATGGTAGGCGAGCAATCGCA  
ATCGAGAATGGTGTGCACGTTTGAGAATC

>trans\_c\_12410Novel Gene

GCAGAGATTACCATTCGCGAGATTAGAGATACGATCGTCCTCCATATAGCGAAATATATCGACGGCTTAGCAT  
CCTGCGGGTTTAACAAAAATCCCCCAGAT

>trans\_c\_12411CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

GAAGCCAGTGAAGACTCTAACCACCAAAGAACGTAAGAAATCACGGTTCGGAAATGCTTTTCACCTCTGTCGT  
GAGATATTATAGTTGACGAAGCTCGTACT

>trans\_c\_12412DQ153984|Gossypium arboreum auxin response factor 2 (ARF2) mRNA, complete  
cds

TATGCGAACCTACACCAAGGTTTACAAACGTGGAGCTGTCGGGAGATCTATTGATATCACCCGTTACTCGGGT  
TATGATGAGCTTAACACCTCAAGGTAAAA

>trans\_c\_12413AF370532|Arabidopsis thaliana Unknown protein mRNA, complete cds

ACCATTTGCTGGTCCGATACTCCTTGGGACTTTTGCCAATAGCCTTGATGATAAAGGGTAATTGTCCAGCCTGTA  
ATAGGGAATTTGCTGGGTACAACCTGTTG

>trans\_c\_12414NM\_112690|Arabidopsis thaliana BGLU44 (B-S GLUCOSIDASE 44); (R)-amygdalin  
beta-glucosidase/ 4-methylumbelliferyl-beta-D-glucopyranoside beta-glucosidase/ bet> (BGLU44)  
mRNA, complete cds

CATCCTTTGGTGTATGGAGATTATCCAGCCAGCATGAGAGATCTTGTGAAGAAGAGATTGCCTAAATTCAAAG  
ATGATGAAATTGTTTTGGTGAAAGGGTGT

>trans\_c\_12415NM\_128988|Arabidopsis thaliana antiporter/ drug transporter/ transporter  
(AT2G34360) mRNA, complete cds

TGATGTGTTCTGGAATAGCAGCTTTGCTTCACATCCCCATATGTTGGATTCTGATATTCGAAATTGGACTTGAG  
ATTCGTGGAGCGCGATACCGGTATGCCC

>trans\_c\_12416NM\_001073851|Oryza sativa Japonica Group Os12g0625000 (Os12g0625000)  
mRNA, complete cds

CTGCTGCATACTTGTTGCCATTTACGTTGATACAAAGTCTACAATAGCTAAAGATGTTACTGAACTAATTGGG  
AATACACCACTTGTATATCTCAACCGTG

>trans\_c\_12417NM\_001052179|Oryza sativa Japonica Group Os02g0109400 (Os02g0109400)  
mRNA, complete cds

CAATCTAAATCTTGCTGTAAATTGCCGGCTGAATCTCTGAAACCCGATATGGGACCCAAGACATATATTGCAT  
ATGGAGTTACACAAGACGAAGTCATCAA

>trans\_c\_12418NM\_001036720|Arabidopsis thaliana BLH2 (BEL1-LIKE HOMEODOMAIN 2); DNA  
binding / transcription factor (BLH2) mRNA, complete cds

CGGTGAAACCTGATTTCTGGACAAACCACTCTGTCGAGCTAACAGAAGCTTGTCTGCGTCGCTGGGGTACGG  
ATGAAGAAAATGCTCGAAAAGCCAAGCTCT

>trans\_c\_12419CP001577|Micromonas sp. RCC299 chromosome 12, complete sequence

AAGGTTTTTGCGGTGGCTGCTACAACCTCGACTCAGGCTCGGAACCCCGGCCAGCCTGCGAAACTCCGGTGG  
AGCGGCCTTCGCTGGCCGTTCACTTACTTT

>trans\_c\_12420Novel Gene

TATGATATATGGTTAGAAGAAGTTGATATTTAGGAGTATTTTAGTGGAATGAATTGGATACTCCACATGGAA  
TGGAGTTATGATTTTTGTTTTATAGGAGG

>trans\_c\_12421Novel Gene

TCCTCTAAGTTACTACTGTAGAAAACCTCAACCTAGAAATTCATCTAAACCCATTAGTCATGGAAATGATTACTC  
ACTCTTTTAGGCTTAGTTCTGTCGAAAT

>trans\_c\_12422Novel Gene

TGTGCTAGTGTCCCCAGAAATCTTGATTTTTTGAATATGAGATTGAATGCCATAACTCTGATTTGTATTTTA  
CTTTTTATTGGTGCTGTTGGTAAATCC

>trans\_c\_12423NM\_001071589|Oryza sativa Japonica Group Os10g0514600 (Os10g0514600)  
mRNA, complete cds

GCGGGAAGCTTGAGGATTTTGCAATGGTGGTGGAAAGTGTTGTCGCTGGTGTGAGCCCTCGCAGTTCG  
GTGCGATGTTGGCTGTTCTCGACACGATAG

>trans\_c\_12424Novel Gene

AGAACGCTCCGAAAGCAAGAGGACCAAGGAGAGATGAGGTGAAGAAAAGCTCAACGTTTGTCAAGGGGCAA  
GATTACAGGGCACGGTGAAAAATATATGGG

>trans\_c\_12425AY494984|Triticum aestivum LON1 protease mRNA, complete cds

CTACGTTCTTTCTGATTCAGTTTGTGGAGGCCACAGCGATGTCCGGGAAGGGAGAATTGCATCTCACCGGCCA  
GCTTGGTGACGTCCCCGGGAGGCCAGCTT

>trans\_c\_12426AL161555|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 55

GCGCAAAGTTTGTGGAAACCTGGTGGTGGAACTCTATCTTCCTTCACAGTCCCATCGTCTTATGGATCAAGTTC  
AAACCTCACAACCTCGAGACCTGTGTGG

>trans\_c\_12427NM\_180601|Arabidopsis thaliana CER1 (ECERIFERUM 1); octadecanal decarbonylase  
(CER1) mRNA, complete cds

TAAGCCATTTGACAACCCACAATCTATCTATCATATGAGGCTTGGGTTGGCAACTGTGGCCTCACAACCATT  
GCCTCAGAATGGTTAATCAAGAACGAAA

>trans\_c\_12428NM\_001060893|Oryza sativa Japonica Group Os04g0691400 (Os04g0691400)  
mRNA, complete cds

AATCTCCATCTTCTTCATGGACAAGAACTTCACAACTTCATCGCCATCTTCACTTTATCAGAGTCAAGCAACA  
ATACAACACAGTTAGCAATTTGTTGAG

>trans\_c\_12429XM\_002871968|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata EMB1211, mRNA

AGCCTGATCCAGAAGATCCATCAAAGCATGTATACACTGAAGATCCTCTGATCCTACACACACCTACAGGACG  
ATTAATAAATTATATAGAGGATGACCTCA

>trans\_c\_12430HM446737|Psychotria deflexa maturase K (matK) gene, partial cds; chloroplast

TGAATAAAATACTATGGTCTAATAACGAACCATTCTGGCCGAACTATTATAATCAAGAGAAAAAACACTTTTT  
CGGGGATAAAAAGGTTTTCGGCCTTACC

>trans\_c\_12431Novel Gene

CTCAGAGTGATACATCGAATTCTTCATCGAACTCCACAGAATCTGACTCGTGTTCAACATTTAACTCTGTAGGTT  
AACAGCCTTGCTTCGTCAATCTCTTG

>trans\_c\_12432AJ243359|Pisum sativum retrotransposon PDR1, PCR product of rearranged copy,  
strain JI2

AGTCTTGTGATCTTCATCAGGAATGTGAGACACCATTGAAGCTTTTTGTGATAATAAAGTCGCTGCCGACG  
CCTAATGGTTTGACCTGGTGCAGCGA



>trans\_c\_12433GQ397971|Arabidopsis thaliana ecotype Wassilewskija alpha-xylosidase (XYL2)  
pseudogene, complete sequence

CTAGAGGAGACCTGTTTCTCGACGATGATGAGCTACCGGAGATGAAAATTGAAAAGGGTACTTCGACGTATG  
TGAATTTTATGGTGCCGGAGTTGGAACT

>trans\_c\_12434AY850394|Lycopersicon esculentum cultivar Heinz1706 chromosome 12  
centromeric region

TACACAATGGGAAACAAGTTATATGCAACAGAGATGGCAAAAGTGCTTGATCCAAAAGGGGTTCTGTTTGCT  
GGGCGAGTTATTTCTCGAGGTGATGATGGA

>trans\_c\_12435AY104554|Zea mays PCO099735 mRNA sequence

AGGTCAAAAATAATGGATCTAAGCGTGGTAGTAACCGTTATTAACCATCACTGGAAGCCTCTGGTTGCTTG  
TTGTGATATTTGCAGTTAGGAGTCTG

>trans\_c\_12436CT029165|Poplar cDNA sequences

ACTGGATCATTAAGAACTCCTGGGGAGCCAACTGGGGGGAGAATGGATACTACAAGATCTGTAGGGGTCGC  
ACGCGGGTGTGACAACGGATGCCCCGTGGC

>trans\_c\_12437CT029363|Poplar cDNA sequences

GCACTTCCTCGAGAAGGGTAGCCATAAAGTTCCAGAAAGCAAATGCACAAGTTCCACGGATTCGAAGCATCA  
GTTGTTGGGGCTGTGAGAAGAACACGGA

>trans\_c\_12438NM\_001189211|Oryza sativa Japonica Group Os10g0400000 (Os10g0400000)  
mRNA, complete cds

AGTCACGACGAATGCCTGATATTTTGACAGTGGTTGTTCTAGACACATGACAGGAAACAAATCCTTCTTTCTG  
AACTAAAGGAATGCACCCTCACAGTAT

>trans\_c\_12439NM\_001075022|Oryza sativa Japonica Group Os11g0689400 (Os11g0689400)  
mRNA, complete cds

CCAGGTGAATATTGGTAGCGTTGATGAACTTGCTGCTAACAAAGCTATCACACAGTATGTTGAAGTCGTTCCA  
CAGATGGAAAAACAGAGACGGTTGGAGC

>trans\_c\_12440NM\_123245|Arabidopsis thaliana forkhead-associated domain-containing protein /  
FHA domain-containing protein (AT5G38840) mRNA, complete cds

GGTAGAATTTTTCACCTGAGTAATTCTTTGCTCATTCCTAGCGATCTGAGTTTGCTGCCCTTGTGTCAATCCACC  
TTGAGAAATGTCTTTAGCACGAATTG

>trans\_c\_12441NM\_124376|Arabidopsis thaliana ATPPOX (A. THALIANA PYRIDOXIN  
(PYRODOXAMINE) 5'-PHOSPHATE OXIDASE); pyridoxamine-phosphate oxidase (ATPPOX) mRNA,  
complete cds

CGAAAAGGAGTCAACATGCCATCCAGATGGAATATCTACAGAAACAATAGCAGGACTTCTTTGATTTGCTTCC  
TTGTAATCATTTAAAGAGGTAAGCCTTT

>trans\_c\_12442Novel Gene

GATGGTCCCTGCGGATGCTAACGCTAGCCCGCAGATCCGGTATCGGATTCCCCTCAAGACTTCTTGAATGAT  
GCACAAAAATCTGGGAGTCGTAGGCCCT

>trans\_c\_12443Novel Gene

GGACGTTAGCTGCGTGTTAGGCATCTTGGGGGACCCTGCGCGTGCGGGCAAGTAGGAGAAGAAGAAGAAGA  
AGAAGAGGAGGAGTCCCGCACGCGCAGGGT

>trans\_c\_12444DQ222998|Prunus armeniaca temperature-induced lipocalin (TIL) mRNA, complete  
cds

ACACCACAAAGCGAACCTCCACCAGAACTGATGAAGGCCCCAAAGATACAAAAGGCATATGGTGGATTAAG  
TCTATTCTGGGAAAATAAACTCATCAAAC

>trans\_c\_12445AF183474|Fritschiella sp. CBS 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TGTCTCGACTTAGTCCCACAGGAAGGGTGCTACCCTAAGGTCTGTCCTAAGTGGCAGAGCCTACGTCATACGG  
GTGTTCCACTCCCCGGCATGTACTGTAA

>trans\_c\_12446Novel Gene

CGGGAATCATTTTAAAAGGCCCTTTCCTTCGTTCCCCAAACCCTCTAGTCCGTCGCCGGTCTGTTGGCATCCCTA  
CCATAGGTGTCTAAGCAAACCCGTAG

>trans\_c\_12447AF385580|Dichanthelium lanuginosum Lon protease (lon) mRNA, complete cds

TGTAGCAGAGAAGATTACGCAGAAAGTAGAAGGACAGTTATCAAAATCACAGAAAGAATTCCTTTTGCGTCA  
GCAGATGAGGGCCAATTTGAGGAATCCA

>trans\_c\_12448NM\_129240|Arabidopsis thaliana ACT domain-containing protein (AT2G36840)  
mRNA, complete cds

TGAGAGAAAATGGGCATTTTGTATGAAGATTCTGTGGTTATTACTTCTGGAGAAAAGCAAGGGGATCCTCATG  
TTATACCGTGAATTGCCCTGATAAGAC

>trans\_c\_12449XM\_002311087|Populus trichocarpa pseudo response regulator (PtpRR7), mRNA

GGCTTAGAAGCTACAAATCAAGAGAACATGCAAGATATTCGATCTCGTTCCAGTGGTAACCCTCCCAATCAAT  
GCTCAAATGGAGACAGAGTTTGGACACT

>trans\_c\_12450AJ437635|Nicotiana tabacum mRNA for protein kinase CK2 alpha subunit (ck2A1  
gene)

AGAGATTACTGGGACTACGAATCTCTCGCTGTCCAATGGAGTGGTCAAGATGATTATGAGGTTGTCCGGAAA  
GTTGGAAGAAAGGGTGCGCACAGAACCCC

>trans\_c\_12451D86306|Cucurbita moschata mRNA for proton-translocating inorganic  
pyrophosphatase, complete cds

TGGTGCCCTTGTCATGTTGACACCCCTCATTGTTGGTATCCTATTTGGAGTCGAAACTCTTCTGGTGTCTTGC  
TGGATCCCTTGTTCTCAACACTTGAG

>trans\_c\_12452Novel Gene

CAGAAGGCAGTGAAGTTCGATTTGCCGGAGGATGGTGTCTGACCGATGATGATTATGATGATGATGATTAT  
GATGATGACGCAGTACGGTCGTATGCAGG

>trans\_c\_12453Novel Gene

CCGGCCAATGTGCAAGTCTATGAGCCCAACACGTAGTGAGATTTTGTCTTGAAGGGGAATCCGAGTAATTCAT  
CACATGCTGTAAGCCTTCTTCGTTTGA

>trans\_c\_12454XM\_002870608|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glycerophosphoryl diester  
phosphodiesterase family protein, mRNA

AGAGACCAATCATCTTCTCCACTTTCCAACCAGATGCAGCATTGCTTGTCCGAAAGTTACAAGCGACATATCCG  
GTATTCTTCTTGACGGGCAAAAAGGGG

>trans\_c\_12455NM\_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,  
complete cds

TGCTGGCATCTCTTCTGTTTGCTCCACGCCCTTTAACATGAGATCTGGTAGAACCCGTCGGGCTGAAGATA  
TTCCCTGGTTTCAGAGTGGTACAAGG

>trans\_c\_12456AJ534807|Chamaesyce atoto ITS1, specimen voucher Zimmermann 49/99,  
Herbarium Haussknecht Jena (JE)

GATACACTGAAATCAACCATAAAGATCAGGGAACTTCCAAGGCTATCACTGGACAGTAAAGAAAGCTGGGCT  
AGGCGCTCTGCTTCGGAACGAGATCAAA

>trans\_c\_12457Novel Gene

AGTGGGCTTACCGGAAGAAGGCATTCTCCGAGGAAGCAGGATGATGCTATCATTACAAACATAGTTCAAAT  
GGTTCTGAAGAGAGCTCGACTCTGCGGTT

>trans\_c\_12458Novel Gene

CGAATCAACTTATTGGTCTTATCCATATAGAGTCATACCTCTTACTATGGTTTCTAGACATAAATAAATATTTGA  
GAGGGCCACCTCCCCATTATTCGCCT

>trans\_c\_12459BT029218|Arabidopsis thaliana At1g13710 mRNA, complete cds

CCTCTCTGCTCTCGCCAATCGATTTAAAGCGTACCCTTTAATGGCTTTCTCTGTTGGCTTAACTCGGTTTGTGAT  
TTCTAGTCATCCCGACACCATATTTT

>trans\_c\_12460XM\_002883923|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata myo-inositol oxygenase 2 (MIOX2),  
mRNA

TGAAGAATGATAATTATGTAGCAATCTTTGGTCACCATCTGAGCTTCTCCGGGAAGTACTTGTTAATTAGGGAA  
ATATAATATGGGGGCCAGGGGTCTACG

>trans\_c\_12461NM\_105359|Arabidopsis thaliana serine/threonine protein kinase family protein (AT1G66880) mRNA, complete cds

AGTGAAGAGACAACAATGGAGAATAGTAATACCTCAATCACTGACGCTGCAAACGGAGAGCTCAACGATGGA  
AAAGACGCCACTAATAATGGCTCCGTCTG

>trans\_c\_12462DQ194151|Plagiochila heterophylla var. heterophylla ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

ACAAACCCCCCGCTTAGGATGCTTCAAACAATGTAAGATATGTAAATCAAGATGGATAAATTACTTAGTCAT  
GTCAAGTTTTCGAGCAGCGGCGCCTTGC

>trans\_c\_12463AY110059|Zea mays CL24120\_1 mRNA sequence

AGGCCGAACGACTGAGACAAATAATCATTGCAAAGACAGAGAACTCGATGAAGACTACGCTGAAAAAATCG  
GTAAGTTGTGCTTGACCTGAACTCAGAA

>trans\_c\_12464EU332012|Hordeum vulgare subsp. vulgare cultivar OWB-R C-repeat binding factor 6 (CBF6) gene, complete cds

CCTCTGACGTTGGGGCTTACAATGAACCTTGTGACTCTAACTCTTCTCAGGGGGGATACTCTCGCGCGCGCG  
AGCCGACTCCAGTCCGCTCACCTATTAC

>trans\_c\_12465NM\_101276|Arabidopsis thaliana FUT9 (FUCOSYLTRANSFERASE 9);  
fucosyltransferase (FUT9) mRNA, complete cds

ATGCAAAACCCAATCACACTTGTTGACTTGCTCTCGCGTGTGAGGCGCTTGAGAGAACTGTGCTGAAGGAACT  
CGGCAGGCCATGTATACGGTCCTAAAT

>trans\_c\_12466AY094417|Arabidopsis thaliana At1g50660/F17J6\_18 mRNA sequence

AACATGACCGATAGGATTGGCATCCAGAAACATACAAATTCCTTTATTGCTCATAGCGGTATTGGTGATATAG  
AAGAAGATGAGAGTGGATGGGAAACTGT

>trans\_c\_12467NM\_105148|Arabidopsis thaliana TUA1 (ALPHA-1 TUBULIN); structural constituent of cytoskeleton (TUA1) mRNA, complete cds

AGACGAACATGCGGGAGATCATAAGTATCCACATTGGACAGGCTGGAATTCAGGTCGGCAGCCTCCATCAAA  
GATCTCGCCATTCTAGGTGCGGCATTAG

>trans\_c\_12468NM\_001055540|Oryza sativa Japonica Group Os03g0155300 (Os03g0155300)  
mRNA, complete cds

TAAGTAAAATAGATTAGTACTAAGTTGAAATATGAATGGCCGTTGATTGTGAATCTTATCCTCCACTTCTCCTA  
CACCTTACCCTGCGGTAAGCGACGGG

>trans\_c\_12469Novel Gene

GAGAGAGGGGTATGAGCCACATTAGACTTGTAGTCATAATCATCATATGAATAATCATCACGCTCACGACTCC  
CAAACCGATCTAGCCGGTCAATTCCATG

>trans\_c\_12470XM\_002870171|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata glutaredoxin family protein, mRNA

GAAGCCGATTTTGGGATCCAGCGCGAGTGTCTTTACTGTATAGCTCATTGAGCATTGGCTCCTGCTGAAGATC  
ACTACTGGCTTCTCAGCTACCAACCCTT

>trans\_c\_12471AY105426|Zea mays PCO146438 mRNA sequence

CGGAAGATCACATATTACCAGGATCGTCCAGATATAATGGCAAAGTACACATGTCGCATAGAAGCCGATAAGT  
CATTGTACCCAGTGCTGCTATCTCAACA

>trans\_c\_12472NM\_119048|Arabidopsis thaliana RPT2a (regulatory particle AAA-ATPase 2a);  
ATPase (RPT2a) mRNA, complete cds

ATGATTCTCATCAATCAACTCCTCCAAATTCCCAACACTCATGGGAGATCCTCTCAGATCATCGACCTTAGAGC  
GATCCTCCTCCGCTTCTCCTCCTGCG

>trans\_c\_12473XM\_002311855|Populus trichocarpa ABC transporter family protein, mRNA

TGGGTTTGGGACAGGGGGTCTTCATCCTCGCAGACACGTGAAATGAGTCGTGAATCATGACTAACCAGAACA  
ACTCCGCCGGTGAATTCATCCAAGGCATC

>trans\_c\_12474NM\_101971|Arabidopsis thaliana SEC5B (SEC5B) mRNA, complete cds

AAAGGTATCTGCAATCGGTAGACCGGGACTCAACCATTTCAGTCCTTCCCTCGTGGCATGGAGTGTATAGAT  
CCACTTGGGTTGGGAGTAATACTGTTAT

>trans\_c\_12475AY110880|Zea mays CL56923\_1 mRNA sequence

ATCAGAGTGGAATGCTCCGATCACAATGTCAACCTCGTTGTCCTTAATATGGAGGTGGGACATCTTCAAACG  
TTTATAGAAAATAAAAAACAATGATTTGT

>trans\_c\_12476Novel Gene

TTTTCTCTGGCGAGGGGAGTGGGCCACTAAGTAAACAAAGTCCCCAAATCTGATTAAGAACGAACTTTGC  
GGGGTTAATGCGTCTCCGTGTGAGACAT

>trans\_c\_12477NM\_001073871|Oryza sativa Japonica Group Os12g0630700 (Os12g0630700)  
mRNA, complete cds

GGAACCCAGTCTGGGATTGATGGAGCCGAACGCATTGGAATGCCACGTGTTGTGCTCCGTAGCAGTTTGACA  
TCAAGAGCCGAGTTCCTTCAGCAAACGC

>trans\_c\_12478XM\_002324364|Populus trichocarpa bile acid:Na<sup>+</sup> symporter family protein, mRNA

GCCTGGAGTTGTACTACAGTCAGTTCAGCTGTGTCCAGCAAGAAGCTTTGTAAGCAACGGAGTCATGATGAT  
GGCGCCAATAGTTGAACACGTTGTCATG

>trans\_c\_12479AF073744|Cucumis sativus raffinose synthase (Rfs) mRNA, complete cds

CAATAAGCCCGTTTTTCGAGTCGATTAGGACTAAACCGGGAGGACAACCGCCGTCGACGAGATGCTTCACGC  
CTTCTATTACGCCTTGTGGATGAACCGTT

>trans\_c\_12480NM\_001112397|Zea mays bHLH transcription factor PTF1 (LOC732777),  
mRNA gb|DQ468654.1|Zea mays bHLH transcription factor PTF1 mRNA, complete cds

TGAACCAACATCAGTGATTCTTTCTTCATTTGTGAACTTTCTGGATTCAATGTCATATATTTTAGTTTTGT  
TCTCTCGTTGGTTGGCTCGGGTGTG

>trans\_c\_12481XM\_002893031|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata protein IQ-DOMAIN 32, mRNA

TAGAGAACTTGACGTAGATTCTGCATCTTGGACATCTGGACTGGATCTTGGAGAGTTATTTAACTGCACCTTA  
GCTCTAGCAGATTCTGTAGCTCGCATG

>trans\_c\_12482Novel Gene

GCATTTTCCGGAGGTATTTCTCTTTCGGTCTTGTATATACATTTTTCGGTGCTTTTTTCGCTTTCGATCGCT  
GCACGGATATTCTTGAGTTTGGACA

>trans\_c\_12483FN562441|Pyramimonas tetrarhynchus partial 18S rRNA gene, strain SCCAP K-0002

GGTTCCTCAAACCTTCAGAGCTCGTGGCGGAGCTTCTTCTGGACCAGGCCCTTCTCGCCGCTTTCGCAATCGTGG  
TCTTATATCTCGTTTATTCCGCCTCGT

>trans\_c\_12484Novel Gene

AGACGACTTAAATACGCGACCTTTATATTATGACGCATCGACGGCGTACGACTACAAGAGACATTGCTCATCC  
ACTCGCCGTCAGTGGGCGCAATTCAGCG

>trans\_c\_12485XM\_002330841|Populus trichocarpa endoplasmic reticulum [ER]-type calcium  
ATPase, mRNA

TGTATCTTTTGTCTTTCGCTGGTATGATGGAGAGGAAGGAGGTGAGATGGAGATCACAGCATTTGTGGAGCC  
TCTAGTTATTTCTTGATATTGATGTGCG

>trans\_c\_12486Novel Gene

TTGCTTTTCCCCGCCTAAACCCCTATGAGTTTGAGATTCTGAATACTACTGTGTATTTACGGGTAAAGAAGTAA  
TTGACCCTCTGGATGTTTACACCACC

>trans\_c\_12487Novel Gene

AGTGCGGCCGCCTGCTTCATAGAGTAGCAAGCTTCTACTTCAAATTATAGCGCTTAGGCTGATGACCTACGGT  
CTTCTTCGACCTTATCTGCTACTGGTG

>trans\_c\_12488GQ998457|Liquidambar styraciflua voucher FLAS:M.J. Moore 307 NADH-  
plastoquinone oxidoreductase subunit K protein (ndhK) gene, complete cds; chloroplast

GTGCTTATCCTAATTGTCGGTTTAGTTTATGCATGGCGAAAAGGAGCATTGGAATGGTCTTAGTTTTTGAATAT  
TCAGACACGGCACCCACACGTGAGAA

>trans\_c\_12489NM\_001068050|Oryza sativa Japonica Group Os08g0314800 (Os08g0314800)  
mRNA, complete cds

TATGTTTGGGGAGTTCGGACCAATCACCAGTGTTGTGGTGATGAGGGATGGAGAAGGAAAATCAAAATGCTT  
TGGCTTTGTAAAAAACTCTTACGCCTAC

>trans\_c\_12490NM\_130312|Arabidopsis thaliana DNAJ heat shock N-terminal domain-containing  
protein (AT2G47440) mRNA, complete cds

TGCCCCGCCCAGTTTGTGCTGACATTTTCGCCTTGTCTCGAACTGAATCGAGATCACGGTCATCTGCAAGCT  
CACACCGCTCGATAAAGTTTGTAGCTT

>trans\_c\_12491NM\_001054192|Oryza sativa Japonica Group Os02g0663800 (Os02g0663800)  
mRNA, complete cds

AATCTGACTCCCCTCAAAATCATAAACGGCATATCGGCATTCATCAGCAGGAAGACAGGCTGTGAAGTCTTCA  
TAGCTTTGACCTGGCTCGGGTTGCTTTT

>trans\_c\_12492FJ541463|Lepidium montanum pop-variant 2 pistillata (PIC) gene, partial sequence

ATCAGACTTAATGGCCAAAAAGTCTGGAAGGGAAAGCATGATGTGCTCATCCAAGTTGTCCATCATAAGGTTT  
AGCGGGGTTTCCCCACCTGTCACAGACG

>trans\_c\_12493Novel Gene

TGCTTGGCTCAATTGGCCGGCCTCGCTGTCTGGTGTCTTTTCCTTCAATTGCTTTCGGCTGAGATGGTTATTGTT  
ATTGTTGAGATTGGCAATGTCGGTGT

>trans\_c\_12494XM\_001773808|Physcomitrella patens subsp. patens SNF2 family DNA-dependent  
ATPase (CHR1502) mRNA, complete cds

TAACACACAAATACACACACAGCCGCTTCACCCAGCACTACCATACACATCATCACAATCCCCACAATCATCAA  
ACCCTTCAACTTCATTTCCATTTCTTT

>trans\_c\_12495Novel Gene

CTTCATTTAAATGGTTGGACATTTGTTTTGAGGGCATAGATTAATTATACACAGGTCTTCTTGCGACACAGTT  
AGCTTCTTATCAACGCACAAGCTTTCT

>trans\_c\_12496FN397617|Raphanus sativus Rfo genomic region from maintainer genotype

GGAACCTGGAAACTGATAGTTTCTAAGTCTTGAAACATCGGCAATTCTTTTCACAGCACGACTTCCCATGTCAG  
ATGAAAATTCCTCAAGAGCGCTCGATC

>trans\_c\_12497GQ428579|Tetragastris panamensis voucher NH200494 ribulose-1,5-bisphosphate  
carboxylase/oxygenase large subunit (rbcL) gene, partial cds; chloroplast

GATGAGAAGAATTATTAAGAAATATGCTTAGACGTTGAGGTATTCGGATGCGTCTACTCATCCTCGTATTCTTG  
TTTCTTTCCTTGGAGGTCGGCAGGAT

>trans\_c\_12498Novel Gene

GAGGAAAGACTGGGAAGAAGAACAGTAACAAGAACAACAGTGGTGAAAATAACAATGATAATAAGGAAGCT  
AATAAGGGCAACCCAACACCTCTTGGTGGT

>trans\_c\_12499NM\_106007|Arabidopsis thaliana hydrolase, alpha/beta fold family protein (AT1G73480) mRNA, complete cds

TCGTCATTGCTGGAACAAAAGAGGAGAGAGGGCAAAGTAAGTCGGACGTTGTTACGGATCTTTCTTCGTTTG  
AGAAAGAGTGGAAGTAGAAAGCAAATGTT

>trans\_c\_12500NM\_001072118|Oryza sativa Japonica Group Os11g0116200 (Os11g0116200)  
mRNA, complete cds

TTACTTCATGGAATCCATGATAACACTTGGGCAATACACGAACCCGATCCCCTGCTTCAAACCTCCAACAAACAA  
ATCACGCACTCCCCATCAATTCCTCTC

>trans\_c\_12501Novel Gene

CCAAAAGAACCCGTTGAACTATCAAAGAAAGAAGCTCAGGCAACTGAGGTAGTTCATTGGAAGAACTAATA  
GAGAGGGTTGCAAACCTCCCCGAGGTCTTC

>trans\_c\_12502XM\_002893683|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ferredoxin family protein, mRNA

CAAATAACTAGTGTCTGTTGTAGTACAACAACCGTGCCTGCAAGCAAATGGAAGTGTATGCTCTTTTATTCA  
GCAGTGTGCAATATGTACTGGTCCTCA

>trans\_c\_12503FJ842808|Brassica rapa subsp. pekinensis isolate BrTNL51 disease resistance protein  
gene, complete cds

AAAGGTAGGACTAAGACTGTGCGGGGAAGGAAGCATAGGTTTTCTGTGATTCGAGTTTCTAATTCTGCAGCT  
GAATTTTCCGGTAGCAAAGCGTACCTGGA

>trans\_c\_12504BT008376|Arabidopsis thaliana At1g70820 gene, complete cds

CCGGCGTGTTTCATGAGCACCGTTTTGTCTCCTTTTTCTTATGATGCTTCTATTATGTTAACAGCATCTCACTTAC  
CGTATACACGAAATGGGATGAAGTT

>trans\_c\_12505GQ997393|Lonicer japonica voucher FLAS:M.J. Moore 312 NADH-plastoquinone  
oxidoreductase subunit 1 protein (ndhA) gene, complete cds; chloroplast

AGTTCAACTGCGGTAGAGGGACCTTTACTCTCAAAAACCTTTGATTCCAAGCATGGCAGGAGATTCAAAAGAA  
AACATTTGAAGTACCTAAACCCGTCGAA

>trans\_c\_12506FJ114456|Pinus taeda isolate 4441 anonymous locus UMN\_4748\_01 genomic  
sequence

CTCCACGGTTGCGGACCTTACCAAGCGAAATGGACGGAAGGGTGGATCTTGAACAACTTAAACGCATCGCA  
TCTCGACTACTACTATGGGTTCTTTGCGA

>trans\_c\_12507HQ221572|Petunia x hybrida cultivar W115 ubiquitin-conjugating enzyme (ubc2-1)  
mRNA, complete cds

ACAGATCTTACAAAGTGGGATTGTAAAATGCCCTCGGGAAGCATTTGCCTGGACATTCTGCAAAATCAGTGGA  
GCCCAGCTTATGATGTAGCAGCATATGA



>trans\_c\_12508NM\_001071511|Oryza sativa Japonica Group Os10g0499600 (Os10g0499600)  
mRNA, partial cds

CACAAGCTTCAACACTGTTCACTAGAACCTTAGCTGCCCATGCGCAAGAGGTCGGGCGGTTCCAAACAATTCC  
AGAAATTACTACAAGCTCATCAAAAGTT

>trans\_c\_12509DQ997712|Populus trichocarpa CBL-interacting protein kinase 23 (CIPK23) mRNA,  
complete cds

AAGCAAGAAGAAACAAGGCTCTATTTTCACTTCAAAATGCCCTGCTTCAGCCATTATAGCCAAGCTTCATAGAG  
CAATTACAGCTAGACACTTTGGGATCG

>trans\_c\_12510Novel Gene

TAAGCCTCACCGATTCTCTTTCTTCCTCTACCTTCAACAATCGACTTGCTCAACCACAGCTCGACTTTGTCTTCAG  
CTATGTCTTTATTGCTTATCGCTAA

>trans\_c\_12511Novel Gene

GGAGGGAAAAATCAAATTCCCAAGTCCCCTCGCCTCTCTAATTCTCTGATCCAATCGATCAGTTCGAAGCAGA  
GCTCGACCTCTTTCTCAGATTGAGATAT

>trans\_c\_12512XM\_002309778|Populus trichocarpa calcium dependent protein kinase 24 (CPK24),  
mRNA

TAGAGTTGTGGCTGACCATTATCAGATGAGCAAATGGAAGGGATCAGACGAATGTTCCACATGATGGACAC  
TGACCAAAATGGAGATTTGACTTTTGAAG

>trans\_c\_12513GQ998732|Staphylea colchica voucher FLAS:D.E. and P.S. Soltis 2711 envelope  
membrane protein (cemA) gene, complete cds; chloroplast

GGCTCGGCTATAGGAACTCTTGACAACTCTCTTAAGAATAACAAGTTCTTCATTACCAAGAATAGAATAACCA  
CTTAGAATAACGAAACAGATTATATTT

>trans\_c\_12514NM\_100323|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT1G04430) mRNA, complete cds

ATTTATCAAATGAGATTGAACTGGACCTTTCTTTGATGGAACACTACGAAAGACACTGCCCACCACCTGAGA  
GGCGGTGTAATTATTCAGCCTTCTTCCA

>trans\_c\_12515Novel Gene

TAGGTCAATTAAGGATCAAATCTTGGAACCTCATGGGTAAATTAAGCTACCACGGACCGGTAATGGAATTGAT  
AGAGAAATTCATAGACCTAGGTTGGATA

>trans\_c\_12516NM\_001053622|Oryza sativa Japonica Group Os02g0549200 (Os02g0549200)  
mRNA, complete cds

CTGCGGATGCTAACGCAGAAGGAGTTCAAAGTTGAAGTTGAAGCAATTGGACGAGTCAGACACAAGAGCTTA  
GTTAGATTGCTTGGATACTGTGCTGAAGG

>trans\_c\_12517CP001334|Micromonas sp. RCC299 chromosome 16, complete sequence

TTCTCTCAGGAGATGAGCGGGATTTCCGAACCATGCTCCTCTGCGGCATCTTGCGTGTGGCCCATCTTGCCG  
GTGCCAGGCGATCCCTGTAGTGTAGCA

>trans\_c\_12518FJ909698|Zea mays subsp. mays Mu transposon insertion Mu1007339 flanking  
sequence

GAAGAACTGAACAGAAATCCAAAACAAGGGAGCGGGCCGAAAACGAGTGCGGTGAATTTCAAACAGGG  
GTCGATGTAAAGACGTAGGTGTGGCCGTTTC

>trans\_c\_12519XM\_002876229|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata armadillo/beta-catenin repeat  
family protein, mRNA

GGCACAAAACCTGTCCAAAATCTCAGCAAGCTTTACTACATACAGCCTTAACACCAAATTACGTTTTGAAGAGT  
CTAATTGCTTTGTGTGTATCTCACCCG

>trans\_c\_12520FJ473406|Solanum lycopersicum lipid transfer protein (Ltp1) gene, promoter region  
and partial cds

GCACATTCTCCCTCAATTCTATTGTCCATAATTCTCATTATTCTTCTGTTGCTAATATTTGGCTTTGCCCATCTAC  
TAAGTTTTGTTCTCTCCTGTCTT

>trans\_c\_12521AB233529|Ceratosicyos laevis gene for 18S ribosomal RNA, partial sequence

TCTTACCTCCTTCAGGCCGCCTCTTTACCTAGGCACCTGGAGGTGTTAGAAAGCAACATCCGCCAATCCCTG  
GTCGGCATCGTTTATGGTTGAGACTAG

>trans\_c\_12522NM\_001065548|Oryza sativa Japonica Group Os07g0175300 (Os07g0175300)  
mRNA, complete cds

ATTGGGACGTTGATGACAGTGAAGGAGATGGAGGTTTGTGAAGAGTATACTTGTGTTAAAGACATGGGCCT  
AATGCTAAAATCACTCATATTTTGATAA

>trans\_c\_12523Novel Gene

AATTGAAGTCCGCCTAGTGCAGGTCCAAGCCGTTTCTGATGAGCATTCTGCTGACGTTGCTGATTCATGTCCTG  
TAAAAGACACTGATCATAATTCTGCAA

>trans\_c\_12524NM\_103818|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT1G49270) mRNA,  
complete cds

TTTACCTTAAGTAGGAAACAAAAAAGGAAAGGTAAGTGAGCCTAGAGAAGGCAAAGTAGCTAAAACAGGC  
CTAGGAGGAAAAGAAGGCTTATGCTTATTT

>trans\_c\_12525GQ998804|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C envelope membrane protein (cemA) gene, complete cds; chloroplast

TAGGTTTTAGAAACATCTGTCTTGGTTAGTAATCAAGGGTTGGTACCCCACTTACAGGCTCTATACATAAATCA  
GTTAATAAAAGAATAGAAAAAGCTTTT

>trans\_c\_12526AL161491|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 3

TCCGAGCGGGATCGGAGAGTAAGACTAGATCAAATCAATAACTCTGTAACTTTTCTATTTTACTTGTTCCGG  
GATCCTTTATCCTTTCCTGAATCATT

>trans\_c\_12527Novel Gene

AAAAGTATGTTCAAAGTGATGTTTCTTATTGACCAAGATCACATTGTTTTCTTCTGCTCCTAAGACAGCGG  
GAGATGATTTTACACCTTTAACAAC

>trans\_c\_12528XM\_002892101|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata kinase interacting family protein,  
mRNA

AAGTTTTGACAAAGGACATCCTACTCGATCGGGTTTCTGACCATTATCATATGCAAACAGTCGAAGAGAAAC  
TGCTGTGGCTGTGTGATGATATTTAT

>trans\_c\_12529Novel Gene

CAAACCTCTCAAATTTCTATTTACTAATTTTCGTAAACGCATCATGGCAAGTAACTTAATCACGATGAGCCCTG  
GTTTGGGCCAGTGCCACAGGAGAGCA

>trans\_c\_12530Novel Gene

CCGAGCGAATAAGTCAACTTCTTTCACCTAAACAAATAGTAATACGGAAACGTTAGAATGAACCAAATTGAGA  
TAAACACTGGAAAAAACGCGTGCCCTG

>trans\_c\_12531Novel Gene

AAGGATGAATCGCTCCCGAAAAGGCCGAGCGGTCGGAGAGAAACCGGTTGGTTCAATGCTTGTATCGTCGGG  
CAGGACATTTATCTTGAGAGTTGGACCTG

>trans\_c\_12532NM\_115724|Arabidopsis thaliana TTL4 (Tetratricopeptide-repeat Thioredoxin-Like 4);  
binding (TTL4) mRNA, complete cds

GCTGCGAATGAATTGTATAGAAGAGGGAGTTTTGTAGAAGCTTTGTCGTTGTATGATCGTGCAATTTTATTGT  
TCCCGGAAAATGAGTAGGCGATTCTACA

>trans\_c\_12533Novel Gene

ATAGTTCTCCCTTGGGTGGTGGTTCGCAGAACTTTGTTGCAGTAACATGAAGAACAGGGTATTTGGCAGCAT  
TAAGATTGTCGTTTTCTCGGCTAAAATA

>trans\_c\_12534AY109393|Zea mays CL6746\_2 mRNA sequence

CAAGTGCAATTGAAGAGCACAAAGCTTGAAGAACAATATCCTGTTGACCCTCTTCAGAAACGGGTCATCCACAGG  
TCTCCCTAGCCTTAGTCACCTCGGCTGC

>trans\_c\_12535GU108480|Polytomella sp. SAG 63-10 chromosome 1 mitochondrion, complete  
sequence

TAGGTAGCTTTGTCGTGCACGGACCCTTTGACGTTGCACAAAAGCCATTACTTTACGTTTCAGCTAGCACTAAA  
AAGGCTACTCCTAGTAGAAGTGGTAGA

>trans\_c\_12536AY108461|Zea mays PCO130914 mRNA sequence

CTTGGAACCTGTAAGAATTTGTTAACCTGTTTCTCCCATCCATCAGTGCTCCAGACGCACAGCTGAGAGTCGGC  
TCCAGAAGATACAAGAACATTTAGTTG

>trans\_c\_12537AY104119|Zea mays PCO102509 mRNA sequence

ATGAGATGTTTCCAGCACGAACAAATACAGAATTTGTGCAAGTTTTATCCAATTCACACCTTAAAATGCGTGTG  
TGGGAGCGTGGTGCAGTATACACACTG

>trans\_c\_12538XM\_001701186|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TTATGACATACGATAGTAAAAACAACACACCAGAGAAAACGTATTTTGATGGTGTCTTGCTTTCACACACAGT  
TAAGAAATGCATACAATGACATATTCC

>trans\_c\_12539XM\_002863351|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-  
containing protein, mRNA

AGGGGATTATGATGGGATTATGTATGTTTTGCAAGAAATGAAGTCTATTGAGATGCAGCCTAATCTTGTTGTG  
TATAACACTTTGTTGGATGCAATGGGGA

>trans\_c\_12540AJ007547|Zamioculcas zamiifolia coxI gene, exons 1 and 2, partial

TGGAAGTATGAAAATGCGATCAGGTGCTAAAGCTTATCGTTATCGACTACATAATCAACTTGGTATGATGAAA  
CTAATTCATTGTATTAATGGTCATATTC

>trans\_c\_12541EU002546|Suriana maritima RNA polymerase beta' subunit (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

AGGTATGAGAGGATTAATGTCAGATCCACAAGGACAAATGATTGATTTACCCATTCAAAGCAATTTACGTGAG  
GGGCTGTCCTTTGCCTTATATATTTTT

>trans\_c\_12542AF370605|Arabidopsis thaliana axi 1 protein-like protein (At2g44500; F4I1.31)  
mRNA, complete cds

CAATCGCTACGCCGATTCTACTGGGGTTTTGAAATCGGATGAAGGAAATGAGCAGGGGGAGTTCTGGAAA  
CAACCTGATGGATTGGGGTATAAACCGTG

>trans\_c\_12543GU171533|Ipomoea batatas microsatellite Stv\_lpb\_113 sequence

AATCTCAGCAGTTCCTTCGGAAGAGGGTTCGCCGATTGCAGTGCCAGTTGCGGAGGTGTCGATGGGGCTGGT  
TGCGGGGAGGGGCGTTGGACGCCCTGTTG

>trans\_c\_12544XM\_002876043|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ATGLR3.6, mRNA

TCTATTGTCATTTTCAGCCACAGATCCCACACTGTCATCACTTCAGTTTCCTTTCTTTATCAGAACTTCACAGAAT  
GATCTGTATCAGATGGCTGCAGTAG

>trans\_c\_12545NM\_121187|Arabidopsis thaliana adaptin family protein (AT5G11490) mRNA,  
complete cds

AGAGGCTTTGCTCAGCAAGCCAGTTGTGTATTATCTTCTGAATCGGATCAAAGAATTTAATGAATGGGCACAG  
TGTCTCATACTTGAAGTGGTTTCCAAAT

>trans\_c\_12546NM\_001066191|Oryza sativa Japonica Group Os07g0485100 (Os07g0485100)  
mRNA, complete cds

AAAGCCACTTCAAACCTTTTCTCTTGCAGAACCTGTGAATAGTCTTTCTCTAGAGCATGATTTTGACCTCCAGGC  
TTCCGCTTTCATGCTGACAAGGAAT

>trans\_c\_12547AY527193|Citrullus rehmii voucher NAM1887\_2 NADH dehydrogenase subunit F  
(ndhF) gene, partial cds; chloroplast

TATCCCTATGAATCAGATAATACTATGCTATTTCCGATGTTTGTGTTATCCCTATTTACTTTGTTTGTGGAATCA  
TAGGAAGCCCGTTCACTCACAGACC

>trans\_c\_12548XM\_002886043|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mechanosensitive ion channel  
domain-containing protein, mRNA

TGGAACCTTTGTAATCGACCCAAAGAAGGAATTTGGTGGTGGTAAAGGTGATGGATCTGCTGGCAAGTTGCC  
CTCACCTATTGGTGGGACGTCGATGTCAA

>trans\_c\_12549NM\_001049836|Oryza sativa Japonica Group Os01g0550300 (Os01g0550300)  
mRNA, complete cds

AGAGACAAAGGAGTTGCTCCAAATGGAATCATTGGTGGACAAATTGGCAAGATTAGCAGTCTGAAGCCGAAG  
TTGATCGCTAAATTGCCAGAAAGAGTTGT

>trans\_c\_12550NM\_001057627|Oryza sativa Japonica Group Os03g0719100 (Os03g0719100)  
mRNA, complete cds

AACGACGCACTGTTCAACAGATTCTAAGCATGATTCTAAGGAGTCAGACGGTGAACGTTTTCAAGATGCTCT  
TGCTCGCATTTGCCGTTGCATTGGCGGT

>trans\_c\_12551AY142063|Arabidopsis thaliana At4g35230/F23E12\_210 mRNA, complete cds

AAGCTCCCAATGTCGTTTACAAAGGCCGTCTTCAGAACCAACAATCGCCGTTGGATCGCCGTTAAAAGGG  
GCAGCCTGGTTAGGTTAAGTTGGGGTTC

>trans\_c\_12552EU824051|Populus tremula isolate swl312-64E thioredoxin-related protein gene,  
partial cds

CCTGGCTAGTCCAGCACAACTCCTGCCCTGTTTGCCGCCAAGAACTGCCTGCACAAGGATCGAGTAGTAGCCA  
TAGCTCATCTGGAAGCAACAATTCTAGC

>trans\_c\_12553GQ131539|Nicotiana glutinosa cell division control protein (CDC48) mRNA,  
complete cds

ATTGCTCCTAAGCGTGAAAAAATCATGGAGAAGTTGAGAGAAGGATTGTGTCTCAGCTCTTGACACTAATGG  
ATGGGTAAAATCTCGTGCCCATGTCAT

>trans\_c\_12554Novel Gene

TAGCGAGAAATTGTGCCGCCACGCGAGTGGTATACATACGTTACGGGGGAATAGGTATAGATCGATGGCTGA  
TACCATGTGTTGAAAGTAACAAGTGTGTA

>trans\_c\_12555NM\_001069033 | *Oryza sativa* Japonica Group Os08g0558900 (Os08g0558900)  
mRNA, complete cds

GCTGAGGGGGTGGAAAGCATCCGCTCCGATCCGGTGGAAACGGCGGCAGCCCCCTCCGCTCAGCCCGCGGCCGA  
AGGGATAACCTCGCCGAAAAGAAAAAGGGG

>trans\_c\_12556NM\_102728 | *Arabidopsis thaliana* glycyl-tRNA synthetase / glycine--tRNA ligase  
(AT1G29880) mRNA, complete cds

GTTTCATTATTCACAGTTCCTTAGAAACCGCTTCACCCAATGGAATTTTCCTTGACAGATTTACCAGACATTTGC  
TCCTCTCTTGGAACATCAAAAATC

>trans\_c\_12557U18349 | *Phaseolus vulgaris* phaseolin G-box binding protein PG2 (PG2) mRNA,  
partial cds

CCTGTATTGAGTGGGGAGTGAGTGAATGATTTGATGATTCAACAAGCAACAGTGAAGATGGGGAGCAGATTT  
TACACACAAGAGTGATCATCCACCGAGA

>trans\_c\_12558XM\_002886091 | *Arabidopsis lyrata* subsp. *lyrata* FAT domain-containing protein,  
mRNA

ACAGTCCATCTTGGCAAATCTAAATCAGTCCTTTGGATAATGTTTAGCTTTGAATGCTAATGGACTTACAAAA  
TGTCTCAGAACTGACAAGACACGAGTG

>trans\_c\_12559FJ141082 | *Pinus taeda* isolate 7377 anonymous locus CL4270Contig1\_06 genomic  
sequence

GGTGAAGCATCCGACAAGTGCCATAACGAGAAACGAAAACTATCAACGGCGACGATTTGCTCTGGGCCATG  
GCTACCTTAGGGTTCGAAGAGATACACCT

>trans\_c\_12560Novel Gene

AGTGGGCTTACCGGAAGAAGGCATTCTCCGAGGAAGCAGGATGATGCTATCATTACAAACATAGTTCAAAT  
GGTTCTGAAGAGAGCTCGACTCTGCGGTT

>trans\_c\_12561Novel Gene

TAATTCCATTCTCTTTGAAGCTCGAAACTCCACTGATGGCTGACGACTTCATGCATGCAGTTCAGCGCAGCATC  
CGCAATAACAAGATCGCTAGGCCAGGC

>trans\_c\_12562Novel Gene

ATAGAGTGAAAGAGAAAGCTCAGCTTCAGAAAACAATGGCAGAATAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAGCAT  
CGTCGTCGTCATCAAATCATTATCATCCTC

>trans\_c\_12563Novel Gene

CAGGAGGTATCTGTAGTCCTTTCACCAAAACCGCGGCCATCCATGAAGCTGATAATTTCCAAGAAAATTGAAC  
TGTTAGTTAAAACTAGGTGTCGATAAC

>trans\_c\_12564Novel Gene

AGGGGCTACCAATTTTGAAGTATAAACATCGGAGGGTAGGATTAACATCAGCATACACCAATTGTTTCCTT  
ATTTGGTAGCAAGGGAAAGGGCAGTGAT

>trans\_c\_12565AB032540|Nicotiana tabacum B19 mRNA for Myb-like protein, complete cds

CGATGCAGGAGATGATTAATAATCGAAGTGAGGAAGTACATGTCCGGAATTGAGCATAACGGTTGGCATTTC  
ATACCGATGCCATCAGAAACGCTGTTGGG

>trans\_c\_12566AB008846|Cucumis sativus Csf-1 mRNA, partial cds

AGAGACTTTCTCTCACTGACATTAATGACATTAAGAGAGTCCCTAGGAAGAAGGAACTCATGGAAGCTAA  
GAAGCGTGCTGATGTTACAGTAGTGTT

>trans\_c\_12567XM\_002885081|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata proton-dependent oligopeptide  
transport family protein, mRNA

CAAATACCATCAATCCCACTCGGTCCATATGCCCAACTACACACAACATAATACAACACATTGATAAACTCA  
AAATTGCAAGAAGCCAATAATACTTCT

>trans\_c\_12568Novel Gene

TACCAAATCTCTCTTGTAATAAGTCTCATTCACTGATGTTGGTGATGAACCAATCGAGTTACACGCGCATATT  
ATACTTGTGGTCTGCAGCTGAATCTGC

>trans\_c\_12569NM\_106656|Arabidopsis thaliana SUS2 (ABNORMAL SUSPENSOR 2) (SUS2) mRNA,  
complete cds

TGGTGTCTGTATAAAGTTGAGTGTCTTCAAAAAAGGTTCAACCCCTCTGGCAACTCAAAGTCGTCGTCATCT  
TCATCGTCATAAGCTCTCTTATCACGG

>trans\_c\_12570GQ177296|Arabidopsis thaliana ecotype Cvi-0 FT gene, complete sequence

AAAGAAAACCTTTCTCGCTTTGATTCTCATCTGGGTTTCTTCTGTTTTCTTTGTTTGATCTCCTTTTACCAAACCTT  
GAAGGTCTGGTTTGGATATGAGAA

>trans\_c\_12571EU878027|Capsicum annuum scarecrow-like protein (SCL1) mRNA, complete cds

CGGTTATTGGCCACGCCTTAATCCGGGGTATGATGAAGTTGCAATGGGAAGTTTACAGCCAAAGCCTCCCCG  
GGTCTGATGTCGAGCATATCACGCGTGA

>trans\_c\_12572AM746200|Nicotiana tabacum partial mRNA for glutamyl tRNA Reductase (hemA  
gene)

ACAGAACTCAGGACCATGTCGATGCTCTAAGCAAGGAACTCAAAGATGTTGAGATAATCTACAAACCCCTCTC  
GAAGATCCCGATGCACATCATGAGGATA

>trans\_c\_12573X65099|Chlorella kessleri plastid DNA for 16S-like rRNA small subunit, strain SAG 211-11g

TCGGGTGACGAGCGGCGGACGGGTGAGTAATGTCTGGGAACTGCCTGATGGAGGGGGATAACTACTGGAA  
ACCCATCGATTATGGCGTATTGCAGCGTTT

>trans\_c\_12574NM\_001049146|Oryza sativa Japonica Group Os01g0253300 (Os01g0253300)  
mRNA, complete cds

GGAGCAGGCTGTATGGGCATTAGGAAATGTTGCTGGGGACTCCTCAAGATGTCGTGATTTGGTTTTAGGTCAT  
GGAGCATTGCTTCCTTTATTAGCAGTCA

>trans\_c\_12575NM\_001186090|Oryza sativa Japonica Group Os02g0554800 (Os02g0554800)  
mRNA, complete cds

CTCCCTGAGCAAGAGTCGTCACCTCGCCGGCGCAAGGCTGAGCAATCTCGCACAGTAACAAGTGACCCTCTAG  
CTCCAACACATATTCCAAAATCCAAACT

>trans\_c\_12576Novel Gene

AGAGCCACCTCTCTTTGATCTCTTTTTCCCACTTCTTCTCTCACACCACCAACTCAATTATTTTTCTCCATCTC  
CTTCTCCCTACACCTTGCCACTAC

>trans\_c\_12577GQ998858|Trochodendron aralioides voucher Univ. of Washington Arboretum  
accession no. 581-4C ribosomal protein S18 (rps18) gene, complete cds; chloroplast

TGCGAATTATACTATTGCTATAAAACAAGCTCGTATTTTATCTTTGTTACCTTTCTTAATAAGTTGGGCAGGTG  
CCTGGGGCAGTTTGCGCGGAATATAT

>trans\_c\_12578XM\_002869193|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata poly(A) polymerase, mRNA

GGTGCCGAAATGCTATGGTGTGACGAAGCCGATATCGATGGCGGGGCCTTGTGACACTGACGTGCAAAGAA  
ACAAGGAGCTAGAAAAGTTCCTGGTCGTGT

>trans\_c\_12579Novel Gene

CCATTGAATCCGATAAAGTGGGTCGAGACGAGTGCGACGACGGCGTGCTCGGTACAGAAGAAGAAATTGGA  
GAATTGAAGAACACACTCCTCATTCCCTTT

>trans\_c\_12580XM\_002886455|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata mate efflux family protein, mRNA

ATACGCAATAAACTTCCCAATACAGAAATTTCTTCAGGCACAGAGCATAGTGTTACCTAGTGCTTACATATCGG  
CGGGGACGCTGTTGGTGACGTGGTGT

>trans\_c\_12581NM\_001068673|Oryza sativa Japonica Group Os08g0496900 (Os08g0496900)  
mRNA, complete cds

TATAACCTCAATCGATACCGAAATGCCGTTTAGCTATTACAGTTTGCCTTTCTGTAAGCCTCCAGGGGGTGGGC  
CTCTATCACGACCCCCGAGACTGTCTC

>trans\_c\_12582Novel Gene



ATCTAAGCAAGGGTACCAAGCTAGGAAGAACAGTCAAACGCGGCGTGTTCTGAATTCTGATCGCTTTTACGCG  
AGCCCTTTTTCAACAAAGAGCCTAAGCCT

>trans\_c\_12583Novel Gene

TTTTATCAAAGCAATTAGTGTAATTTTCCTAATGTTTTGAGCGGATAAATATGAAATTCTTTTCCTTTTGTAG  
GCTATGTAAAAAATTTCCCCCTTGT

>trans\_c\_12584AB108233|Phleum pratense DNA, SSR, microsatellite A11-G11

AAAATATTATCATGCATCATAACTTCCGATCTATGGTTTTGCTATTTGTGGGATGGGATATAGGCTTGGTAAAT  
AGTCATTGTTTCCAGGACTGAGAGGCC

>trans\_c\_12585XM\_002867173|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata GAMMA-VPE, mRNA

CCTTCGAACACTATCAGGAAGTATCTTTGAAGGCCTTCTTCCTGAAGGTTTGAACATTTATACAACAACTGCAT  
CAAATGCTTATGAAAGCAGTTATGCTG

>trans\_c\_12586Novel Gene

GTCGTGTTCAACATTAGTGGCAACATCATTTGGCTTGGAAATCCATGGAGTTTTCCGACATTAAGGGAAGAAGA  
AGGAGAAGAAGAGAGAGAGAGGGTAAAG

>trans\_c\_12587AB545982|Pyrus pyrifolia genes for F-box proteins and S2-RNase, complete cds,  
haplotype: S2

CACTCAAAGATATCTGAGGTTATCATTTCTAAAGGCCCTAGGGATAGAGGGAAAGTGTGTGCATCAATTGCTC  
ATTAAGTCTTCAGGAGAATAATTGGAA

>trans\_c\_12588NM\_126395|Arabidopsis thaliana nodulin-related (AT2G03440) mRNA, complete  
cds

CGACTCTGTTGACAAGGGCAAAGTCGCCGGTGCCACTGCCGACCTTCTCGGAGCTGCTCCGATTATGGAAAA  
TTGGATCAAACCAAAGGTTTTGGTATGT

>trans\_c\_12589NM\_001063452|Oryza sativa Japonica Group Os06g0167000 (Os06g0167000)  
mRNA, complete cds

TCCATGAGAGTGTGTCATGGATCTCTGTGTCAGGTTCTGGATCAGGAGTTAGATGCTTTGGAAATTGAACTGT  
GCAGAAAGAAACAATTCAAATCCCTTT

>trans\_c\_12590XM\_002891715|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata MEK kinase, mRNA

GGCTTGCTTATTTGCATGGGAGAAATACAGTGCATAGGGACATCAAAGGGGCAAATATCTTAGTAGATCCGA  
AAGGCGAGGTCAAGTTGGTGGACTTTGGC

>trans\_c\_12591NM\_114357|Arabidopsis thaliana ACD1 (ACCELERATED CELL DEATH 1); iron-sulfur  
cluster binding / pheophorbide a oxygenase (ACD1) mRNA, complete cds

AGGATCTATGGATAAATCATTTTCCTTCTGCAGGAAAACAGTGTAGTTTGGAAACTCCTGATCTCCTTGAAGAA  
TGTGGAAGTTGTAGTGATAGGAGACAC

>trans\_c\_12592NM\_115601|Arabidopsis thaliana VLN3 (VILLIN 3); actin binding (VLN3) mRNA, complete cds

CATCAAGTCAAGGAGGACCTAGGCAAAGAAGTGAAGCTTTAGCTGCTTTAACTCCGCATTTAATTCATCGTC  
GGGGCCGAAAACACTACTCCTGTTTCGCCA

>trans\_c\_12593AY104203|Zea mays PCO148677 mRNA sequence

TCCTTCTCTCTCCAGCGAACCTTTTGCTTCCTCTTGCATCTTGCTCTCTGGAACAATTTTCATTACGCTAGCAGCT  
GCTGGGTACGACCACCTTGAACCTC

>trans\_c\_12594FJ105616|Pinus taeda isolate 1266 anonymous locus 2\_945\_01 genomic sequence

CAGCAGAGAAGGCTTACCACGAGCAGCTATCTGTACCTGAGATCACAAATGCAGTTTTTGAACCTTCGAGCAT  
GATGGCTAAGTGTGATCCTAGGCATGGA

>trans\_c\_12595XM\_002887639|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata C2 domain-containing protein, mRNA

TGAGGCAATCTATGAAGTTTCTCAAGCGGTCTTTGAATGATCGTGTTGGTATGAAGATATTTGTCACAGAA  
GTGTGTTATGGTGTCCGCAACCAACCA

>trans\_c\_12596Novel Gene

TACCTCGCTTGCGCAATACAAGCATATAATGGCGGAGTTAACGTCACAAAGTAATTATAGTCGATGTCGATGG  
CTCCTTTTTGGAATCTCCGTCGATTCCC

>trans\_c\_12597CP001330|Micromonas sp. RCC299 chromosome 11, complete sequence

GCTGTGGAGGATTGGAGATCTCCACCCGCCATGGGACCTCCGAGGGGAGAATAGCTACTATGGGGACGCG  
AACCGTTAGATAGAGGGAGAACCATGGCCC

>trans\_c\_12598NM\_118291|Arabidopsis thaliana NRPB2; DNA binding / DNA-directed RNA polymerase (NRPB2) mRNA, complete cds

ACCTGTAAGTGAGACAAAGTTGATGCATATGTCAAACGATTTAACACCTGTGATACTCCAGCTCTTGTTCCAGC  
AGCATTTGCTTGCCCCCAGTTTCCAGT

>trans\_c\_12599AY247268|Medicago truncatula AKIN betagamma mRNA, complete cds

CAGGAGTCATCTCTGGACTGGCAAGTGGAGCAGCATAACTAGGCTCTGTAGCCAATAGAACAGTATTTACAAC  
CCCATATTCCCCAGAAACACAAGTCTGT

>trans\_c\_12600AF316909|Streptocarpus sp. 19931445 internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

TCTTAATTGGATGAGTTAACGCGGAAGATCTCTGTTTACAATCACCATGAGTGGACCAGTTAACATCATTGTAG  
GTTTCGCATGTCTGTCGATCCTCGAACC

>trans\_c\_12601AF181491|Lilium longiflorum elongation factor-1 alpha 2 mRNA, complete cds

CTCAAAGTGTGTTTTGCAGGCTTTGATCACTTATTTCTTCTTCACGGCGGACTTGGTGACCTTGGCTCCTGTTG  
GGTCCTTCTTCTCCACACTCTTGATA

>trans\_c\_12602NM\_100834|Arabidopsis thaliana ATP binding / aminoacyl-tRNA ligase/ leucine-  
tRNA ligase/ nucleotide binding (AT1G09620) mRNA, complete cds

AGAAATTGTCTGAAGAGTGCTTGGCTAGCATGGATATGTTTTAGATGAGACAAAGCATGGATTGAGCACAC  
ACTAGGTTGGCTCACATCACCAATGCAT

>trans\_c\_12603Novel Gene

TAAGGGTCTTCATTTTTGAGAGAATTGATATTATATCATATGATTAGCCTAGGTGATCTGTATTATTCGGATTA  
GCTTTTGTTTCATTAGATCAAAGCATA

>trans\_c\_12604NM\_001036893|Arabidopsis thaliana protein kinase family protein (AT5G35980)  
mRNA, complete cds

TATGCATCCACAAGCAAGAATATCAGTGCTTGCCAGTAGCCCAGATACTCGACAGAGGATTTCCAATTATCTC  
ATGGTAATGGGATTGGTGTGAGCCCAT

>trans\_c\_12605NM\_001073914|Oryza sativa Japonica Group Os12g0638700 (Os12g0638700)  
mRNA, complete cds

ACGACGGGGGCTTCAGCCAGCTTCCAACTATCTGGCAGAGGAGATGGTTTAACCCTGTCCTTTGATGCCACTG  
TGATTGTACCATCATTAAGGATAGCAAT

>trans\_c\_12606NM\_001187618|Oryza sativa Japonica Group Os05g0588100 (Os05g0588100)  
mRNA, partial cds

TCCTATTTTCCCATACAAAATCAAGAAATTAGTAATACTTCTTTTCTTTGGGATACCTACCCAATTCTAGCGGGC  
CCCCAGAGTCCCCCGTGCAAGTGCACC

>trans\_c\_12607NM\_001073600|Oryza sativa Japonica Group Os12g0568800 (Os12g0568800)  
mRNA, complete cds

AGAATTTATCCAGTGATCAATTACATCGTTCTGTAAAGCCCCCTATTTTCTCATGCTTTGGTGATATAGCACTGC  
GATAACCTCTCTTAAACTCTTCATG

>trans\_c\_12608U42608|Glycine max clathrin heavy chain mRNA, complete cds

GTGTTTGCACCGGTACACTCTGAAATTTTGCAACAGTATCTGGTGTGCGGAGGATTCCTTGAGGAGACTCAGC  
AGCCAATTCAGCAGCTTCTTTGTACTTT

>trans\_c\_12609Novel Gene

AACTCCCAATTCTCCTGGTATCGAATACTAGAAAGATGCATAATTCCTTCTAGAATCCTTTGTTCCCTTCATTTTT  
TTTCTATTCTCCATTTACTTATCTT

>trans\_c\_12610XM\_002869076|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata chalcone synthase family protein,  
mRNA

>trans\_c\_12611M81726|*Oenothera berteriana* NADH dehydrogenase subunit 2 (nad2) gene, exons 3-5

>trans\_c\_12612XM\_002884422|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pentatricopeptide repeat-containing protein, mRNA

>trans\_c\_12613XM\_002864256|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata membrane-associated mannitol-induced (ATMAMI), mRNA

```
>trans_c_12614CT029126|Poplar cDNA sequences
```

>trans\_c\_12615XM\_002298772|Populus trichocarpa global transcription factor group (GTE906), mRNA

>trans\_c\_12616Novel Gene

>trans\_c\_12617DQ445253|Hordeum vulgare CBF9 (CBF9) gene, complete cds; and retrotransposon Sabrina\_T8A-1 retrotransposon Sukkula\_T8A-1 and retrotransposon BARE\_T8A-1\_SoloLTR, complete sequence

>trans\_c\_12618DQ071875|Manihot esculenta plastid ATP/ADP transport protein 1 (AATP1) mRNA,  
complete cds; nuclear gene for plastid product

>trans\_c\_12619HM747959|Solanum lycopersicum beta-amylase (BAM1) mRNA, complete cds

GAAGGAAGGGAAGAACCCGGATAAGTGTTGGGAGCAAGTGGAGAGGGAAGCTGAGCATTTTGTTCATGTTA  
CTCAACCATTAGTTCAGAGGAGACGACAAC

>trans\_c\_12620GQ997933|Berberidopsis corallina voucher FLAS:M.J. Moore 326 ATP synthase CF1  
alpha subunit protein (atpA) gene, complete cds; chloroplast

CAATCAACAAGGGCAAAATGTAATATGTGTTTATGTAGCTATTGGTCAAAAAGCATCTTCTGTGGCTCAGACG  
AGTCAGACTTTCACTTTTTCCTTATAAA

>trans\_c\_12621AJ318074|Cucumis sativus chloroplast ccsA gene, ndhD gene (partial), 4.5S rRNA  
gene, 23S rRNA gene (partial) and 5S rRNA gene

CGGCCATTTGGCGAAATTAAGTTAAATAAAAAAATGAATTGGACTTCCTCATACATTTGGCTTTTGTGAGAACC  
ATTTGAAATGTGAGCTTGAATCCAAA

>trans\_c\_12622AL161571|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 67

AAAGAGTTCTCACAAGAGGGAGGAGAACCAGAACACGAATCCATTGATGATGAAACAGACTCAAAACCAGA  
AGGCGGAGAGAGTTTCGATCAGATAAATGG

>trans\_c\_12623HQ270475|Amaranthus retroflexus pollen allergen MetE mRNA, partial cds

CATACAAAACCTCTCACCTCTTTGAAGGGTGTCTCTGGTTATGGATTGATCTAGTTCGTGGAACACAGACACTT  
GATCTGATCAAAGGTGGATTTCCTTCC

>trans\_c\_12624DQ372584|Gossypium hirsutum isolate Gh-RGA4 disease resistance-related  
genomic sequence

TGATTCAACCGGGCTCCATCAAACCTTCAATTGGTCAAGATAATGGGACTGATGGGGGATTCTGTATTGGCAA  
TGGCGGTGCTGGCGACAGCGGGTCCCA

>trans\_c\_12625AB267824|Ipomoea nil In25 mRNA for ataxin-2 related protein, complete cds

TGCATTATTTACAGTCTCGTCAACATGACGCAGAAAGAGAATTGAAACCATGGATACCTGATGATGATGACC  
CTCAATTTCTGAGCACCTATTGTATAA

>trans\_c\_12626AY258008|Nicotiana tabacum TGB12K interacting protein 3 (TIP3) mRNA, complete  
cds

GGACTTGAGCACATTCAACCTCACCATACCCACTAGCAAAATGCAATGCCGTCCTGCCTTCTGAATCAACTTCA  
TCCTTGTCAGCACCATGCAAGCGCC

>trans\_c\_12627EU513280|Mangifera indica cystatin mRNA, partial cds

TCTGAAACTCCAACGATTTGGCTTTTCTGCTCATCTACCGACCCGCCCTGAGTGGACCAGACCCTGAGCTTCC  
GCAAGCACCACTCGCATTTTGTCTCGT

>trans\_c\_12628AY106517|Zea mays PCO071075 mRNA sequence

CAAAGGAGTTTTGGTTGGACAAGAAAACCTGGAGGGTTATCAATGGCGATTTTCATGGAAAGCCTTGACAATTA  
CTGGAATTGATAGTAGCTCTATGACGGGC

>trans\_c\_12629X87948|V.unguiculata mRNA for glycin-rich protein

TGGTGGAGATGGTGGACTGGGCGGTGAATATGGCAATAAGTTTGTCTGGTAGTGCTGAGGAGATTTCTTC  
ACTGTTTCCTAGCGTTCGGCGCAGATCGT

>trans\_c\_12630Novel Gene

AAGGATGAATCGCTCCCGAAAAGGCCGAGCGGTCTGGAGAGAAACCGGTTGGTTCAATGCTTGTATCGTCGGG  
CAGGACATTTATCTTGAGAGTTGGACCTG

>trans\_c\_12631Novel Gene

TATCTTATTAGGTTAGCCATATATCGACAAGCATTAGGTGTTTGGTAAGGATGACTGCCAGTCTTAAAGAAG  
CTTATACAGGAACTTAAGTATCGAGACG

>trans\_c\_12632EU489457|Arachis hypogaea zinc finger protein ZFP248 mRNA, complete cds

TCCTCTCAGAGGGGAAATCATCGAAAGATGGGCGGCGGGAACGCTTGCCTTGGCCCAGGGCTTGAGTGGCT  
GAAGGAAGGAGACTTCATCGAAGTGAAAG

>trans\_c\_12633FJ024081|Physcomitrella patens phosphatidylinositol phosphatase kinase (PIPK2)  
mRNA, complete cds

AAGAGAAAATTGGGAACGTTGTCGATGAGCTGTTGGTATGGAAGTAAATGCCTTGTCAGGTTGGTTTTGGT  
GGTTAGAAGGTCTTCTTAAGAAGTAGCC

>trans\_c\_12634Novel Gene

AGATGAAAAATGGGGAAAGATGATTGGTTTTGTTGTTGTTGATGTTGTTGATAAGAGTACTCAGTTTTCTCTC  
TTCCGTCGCCTTACGCTGGTTCTCGGA

>trans\_c\_12635AY237112|Cucumis sativus galactinol synthase (Gols) mRNA, complete cds

ACATATTATATGTATTATATTGAGTGTTTATGGTGTGAGACAAATATTAATTATGATAAGTACTTACGGTTAAG  
TGGGTGGGGCAAATTGCGGCAGCCCAA

>trans\_c\_12636XM\_002328019|Populus trichocarpa chromatin remodeling complex subunit  
(CHR912), mRNA

AGAATGTTACAACCTCCAGATATCCAATGCCTTATTAATAAAGACCTTCCTTGTGGCTGTGGGAGCCCTCTCAC  
CCAAGCAGAGTGTTGCACCCTCTGACA

>trans\_c\_12637XM\_002309151|Populus trichocarpa aminophospholipid ATPase, mRNA

AAACGATGAATTTGGATGGTGAGTCAAACCTGAAAACAAGGTATGCTAGGCAGGAAACAGCATCTGCAGTCG  
CTGCCGGGTACCTGCGCTCTGGTCTGAGG

>trans\_c\_12638NM\_179666|Arabidopsis thaliana CLASP (CLIP-ASSOCIATED PROTEIN); binding  
(CLASP) mRNA, complete cds

ACTCCGTTCTTTGGATGAACAGCGATCCCCAAAGGCCAAAACCTGGCTGTTATTGAGTTTGCTATCAATTCTTTTA  
ATAAGCATGTAGTGAATTCTGAGGGCT

>trans\_c\_12639NM\_116971|Arabidopsis thaliana ISA3 (ISOAMYLASE 3); alpha-amylase/ isoamylase (ISA3) mRNA, complete cds

CCAGAGAAAGATCTTGTAAATATATGAAATGAATGTCCGTGGATTACAGCTGATGAATCTAGTGGCTTGCCTT  
CAAGACACATTTTCCTGGCAAGGGGTG

>trans\_c\_12640Novel Gene

TAGTAGAGTAATGAAAAATAATCGTTAAATCTTGAGATGATAGCCCTTCGACTACTAATGTAGTGTCTACTCAT  
TGGGTCTTGTTAATCAAGGCCGCCGT

>trans\_c\_12641XM\_002886125|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata succinate dehydrogenase 1-2 (SDH1-2), mRNA

TACGACACTGTCAAGGGGAGTGATTGGCTAGGTGATCAGGATGCCATTCAATACATGTGTAGAGAAGCACCG  
AACTACTGGCGGTCTAGGTCTCCGGCGT

>trans\_c\_12642NM\_001054515|Oryza sativa Japonica Group Os02g0725000 (Os02g0725000) mRNA, complete cds

CCTTCTTTTTGTTATATGGTGGTGTGTTCTTGTGTGAATGGCAATCCGTAAAGATATGGGTAATTATGAGCCTA  
TATTCCTCGTCTACTAGTGTGCGAG

>trans\_c\_12643CP001576|Micromonas sp. RCC299 chromosome 10, complete sequence

CACCCGCCGTGTGTCTCCCGTGCTGACACTTGCTGGTATTCGGAGTTTGCATCGGTTTGGTAAGTCGGGATGA  
CCCCCTAGCCGAAACAGTGCTCTACCC

>trans\_c\_12644Novel Gene

TGTGGTGTTTTGATTGCTTCTAGGGTTTGACGTTTTCTTGGCTTTGGAGTTTTGTGGTTCTGGCTGAGTTATTTT  
GAGGTGGAACCTTGATTATGAACC

>trans\_c\_12645NM\_001073829|Oryza sativa Japonica Group Os12g0620600 (Os12g0620600) mRNA, complete cds

CGTGATGGACATATGAAGCTACAGACACAGGTCTTCTTTGCTTCTATTGATCAACGAAGTGAGAGGGCAGCTG  
GTTCAACCTTGCCACAGGTGAGTGTTT

>trans\_c\_12646EF408056|Sesbania rostrata LysM-domain containing receptor-like kinase mRNA, complete cds

TGACAAATGCACATTGTTGGAACAAGAGGTTACATGGCTCCAGAGTATCTCGAAAATGGTTTGGTGTCTACAAA  
GCTTGATGTCTATTCATTTTTTCGGGG

>trans\_c\_12647Novel Gene

TCACTCTAAATTGCAGTTTTTGAAGGGAAATCTCAAACGCAGATACACAAAGATGTTGGACATCACGGGTGG  
ACTCTCCTGAGGGGGCAACAATCCTGA

>trans\_c\_12648CP000581|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 1, complete sequence

AATGACTGGGTTTTGATGTGACAGGTACAAGCTGTGCTCTTACTTCTTGGAGGGCGTGATGTGCCAGCAGGTG  
TACCTACAATGGAAGTACCATATGATA

>trans\_c\_12649XM\_002326253|Populus trichocarpa copper transporter, mRNA

CGGAGCTCTGTTTTTCGGAGTCAACTCAGCGATAGGTTACCTTCTTATGCTCGCGATTATGTCCTTCAATGGCG  
GAGTTTTCAAACGTTAAGGAGGGTTT

>trans\_c\_12650NM\_125459|Arabidopsis thaliana PIP2;4 (PLASMA MEMBRANE INTRINSIC PROTEIN  
2;4); water channel (PIP2;4) mRNA, complete cds

TTAGATATAACGGTGGTGCTAACATGCTTAGTGATGGTTACAACAAAGGAAGTGGGTTGGGTGCTGAACGGC  
GTGGGACTTTTGTCTAGTTTGTGTCAC

>trans\_c\_12651XM\_002886588|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata potassium transporter family  
protein, mRNA

CGAATGGGTCAAATTTACATCCCTGTGATCAATTGGTTTCTGATGATAATGTGCATATTTGTCGTCGCAATATTT  
CAAAGGACTACGGACATCGCCAATG

>trans\_c\_12652Novel Gene

GGCTAAGTCTACTCTCAGATCCAGATGCAGATTGTGAATGGTGCTCCTTCACATCAGAAGAACCAGACAAGTC  
CTTGAAATTTTCACATTGCTCGTCTTC

>trans\_c\_12653FJ945169|Populus balsamifera isolate WHR03 locus 564524 genomic sequence

GCCGAGACGTACCGTCGTTTTCCCAAAAACAACAAACTTTTACAGAGTATTCCGGGTCGGAGCTGATTTTCA  
GCTATTCCGCTGACCTCTTTAGCTTT

>trans\_c\_12654NM\_129566|Arabidopsis thaliana ELF4 (EARLY FLOWERING 4) (ELF4) mRNA,  
complete cds

TGTGGTGCCTCTTTTACCACTTCTGGGTTTGTGGTTATGGAAAGCAGTGGAGAAATCAGAGGAGAAATCAGA  
GTACATGGAAACAACCTTAGAGATGTTT

>trans\_c\_12655EU168955|Eryngium pandanifolium 30S ribosomal protein S16-like gene, partial  
sequence; chloroplast

AAATAGTACATGATGGAGCTCGAGTAGAAAGTATTGATTCATTTTAGTTCCCGTCTCTAGATCCCAATCACAGT  
TAGTATAAGTTAAAACTACTTCGTCC

>trans\_c\_12656Novel Gene

GGGCGCACCCCAGGAGCAAAATCTACACATACCGTTCTAATGCTCACTGACCTGCCCCGAACCGAACATCCCG  
CCGGGTCGTCGCACTGTCACGATGGTG

>trans\_c\_12657NM\_001072862|Oryza sativa Japonica Group Os12g0188500 (Os12g0188500)  
mRNA, complete cds



CCAGTGGCCAAAGCCCATGTAAACCACAAGGCACCATAGTTCTTGAAGTGTCCAAAGCAACCACAACAGTTAC  
CCATTACATTTTAAGCCGTACCCACC

>trans\_c\_12658U52632|Caltha palustris nuclear 26S ribosomal RNA gene, partial sequence

TAGTAACGGCGAGCGAACCGGGAAGAGCCCAGCTTGAGAATCGAATACTTCTAGTACTTAGGCCACGACTCA  
AGAGGATACTTCTGATAATAAGTTAAAT

>trans\_c\_12659XM\_002300518|Populus trichocarpa histone deacetylase (HDA904), mRNA

TCTCCTATTTCTTAACATCACCGGTTCCAGGGAAAAACAAGTCCCCATACTTGTGAAAATAACGGTCATCAC  
CCTGTCAGTGAAATAAAATGCTTCCT

>trans\_c\_12660NM\_001187794|Oryza sativa Japonica Group Os06g0286351 (Os06g0286351)  
mRNA, complete cds

ACCAAGCTAAAGCACGGCAACTGTCAATGCAATCGGAAACCAATCCAACCTACAGCTTATCCGGAATACATATT  
ACCATACTTGGTTCATGCTCTTGCTCA

>trans\_c\_12661Novel Gene

AGTGGGGAGGGAGAGGAATCTAATGCTGACAGCCGGAAGAAAGCTTTGTCAATGTCGCAGAATAATTGAGA  
ACCTATACGACGTGATCATCCTCAACCAC

>trans\_c\_12662AB105047|Raphanus sativus RsNdr2b mRNA for protein kinase, complete cds

TGTGTTGATGATTTTGAGCTTTTAACCATCATTGGCAGGGGGGCTTTTGGTGAGGTTGATTATGTCGTGAGA  
AGAAATCTGGCGATATATATGGTTACC

>trans\_c\_12663Y15107|Glycine max tufA2 gene

TTTCAACACGCCCTGTAGCGACAGTACCACGACCAGTAATAGAGAACACATCTTCAACAGCAAGCAAAAATGG  
AAGATCTGTTTGTCTTTCAGGTATTGG

>trans\_c\_12664AB450293|Anacamptis morio OrcPI gene for PI/GLO-like protein, partial cds, isolate:  
AMORJ

GGAAGTCCTCGTGTGCGAAGTTGAAATCACATACGAAGGATGCCATCATGGAGAAGTATGGGAATGCTGCT  
GCCGAGCTTTTCGACGGAGCCCTTGAAA

>trans\_c\_12665X75020|P.amygdalus mRNA for phosphoglycerate mutase

CTCAGCTTAACCATCGACAACCTCAATTAGGGTCGTCTCATAGTCGCTTGGAGCTTCATAGCCATGGAGATTAA  
TCACAGTTGCAGCAACATTGGCCAAC

>trans\_c\_12666Novel Gene

TGGATGTGAAAACACCAAGCCAGTTGAAGCTACAAATGATTTGGTAAAGGAGGAAACAAAGATCTCAGAGA  
ATGGATCAGAAAACCTTTTGACCTCTACT

>trans\_c\_12667XM\_002894191|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata cytosolic tRNA-Ala synthetase,  
mRNA

TGGTCTTGACCTGATAATGAGGCTAGGGACATATGGCTGAAGTTTTGCCTGCTGAACGTGTCTTACCTTTTG  
GCTGCAAAGACAATTTCTGGGAGTGT

>trans\_c\_12668Novel Gene

TGACCATAGGGTGTATTATCAAAGGATGAGCAGCATGCAGATAACTGCTACACAGAATTCTATTTGTGCCAATA  
AATCAATATGCCTTGTTTCTAAGTCAA

>trans\_c\_12669XM\_003082245|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot12g01490) mRNA,  
complete cds

AACTACATCTCTCAATTGGCAGATTACATGAGGCTCCATTTGGATGCACTCCACTATGTTCTGGGAGTGATAAA  
TTCAAGACAATACAGTATCATGATAA

>trans\_c\_12670AY995182|Datura innoxia squalene monooxygenase mRNA, complete cds

CATTATCTTTCCTATTATCAAAGCTGAAGGAGTAAGGCAGATGTTTTTCCCAAGACCGTTGCAGCTTATTACC  
GGGCTCCACCCGTCGTGAGAGAGAGA

>trans\_c\_12671NM\_001186378|Oryza sativa Japonica Group Os03g0204500 (Os03g0204500)  
mRNA, complete cds

TTTACATAATAAACTTTGATCTAATTTTTCGTCTGAAAGCAAAATATATCCGTTCTGGCTCCGATTTTTTGTAACC  
TCACGGCTCAGCTGACGGTGTAGA

>trans\_c\_12672NM\_001073845|Oryza sativa Japonica Group Os12g0623900 (Os12g0623900)  
mRNA, complete cds

AGGTCATCTATTTGGAAGCAGATGGCTGACGCTGGAATCAAGTTTATTCCAAGCAACACTTTTTTCGTATTATGA  
TCAAGTGCTTGACACTGCACAGCGTA

>trans\_c\_12673NM\_118842|Arabidopsis thaliana thioredoxin family protein (ATPDIL5-4) mRNA,  
complete cds

ATTCCAAATAAAAAGACCATGGACAGAGCTGCTACTATTGATAATCCTGCACCAGATAATGTTGCCTCCGTAA  
ATCTCTTCAAATCTCCTGGTCCCTG

>trans\_c\_12674NM\_127781|Arabidopsis thaliana binding (AT2G22125) mRNA, complete cds

GGAAAGTAACAATTCAAATCGACAAAGTTGTAATGTTGGGAGCGGTTGCCGCGAGTACACCCTGTTGCCTG  
AAAGCAAAAGCGGTCCTCGGAGCCCAAG

>trans\_c\_12675AM748036|Arabidopsis thaliana genomic region affecting the accumulation of  
flavonol 3-O-gentiobioside 7-O-rhamnoside, ecotype Landsberg erecta

AATGCTTATGGTATTGCAGAAGTTGGTGTGATGCTGGTGAGCACTGTCCTTGACTCTAGTAATGCTTCTAAT  
CTGGCAGTGTTCTGGGTGGGAGATATG

>trans\_c\_12676Novel Gene

AGCACAGGTTTAGGTTCCGGCTCAATGGGAATTATTTGCCTCGTGGATTGTTGCATAGAAGTGTCTGGTTCTT  
GATGCTCTAGCGGGGAAAGTCCTCAA

>trans\_c\_12677AF497474|Aegilops tauschii leucine-rich-like protein gene, partial cds; seed globulin (Glo-2) gene, complete cds; HMW-glutenin (Glu-Dty) gene, Glu-Dty-T2 allele, complete cds; and HMW-glutenin (HMW) gene, HMW-Dtx2 allele, complete cds

ATAGATGGGAGATAGCAGAGAAAGAACTAAGTATAAAATAGAGAGTATCCAAGTGATTAATGAATTGATAA  
CCGCCCAGAGAAACATACACAACAGGCG

>trans\_c\_12678AF506028|Poncirus trifoliata citrus tristeza virus resistance gene locus, complete sequence

TTGGACATAACCAACCGTAGCTTCTACATAGGACCTTTAGTTGAGAACTTTCATGGTGATGCTTTGACCAAGAAA  
ATCTGGTTCTAGCTTTGATTCGCGCA

>trans\_c\_12679AY045653|Arabidopsis thaliana At2g44200/F6E13.34 mRNA, complete cds

CCGTAGGACATATTATTCACAGGGTAAATCTGAAATTGAAGCCAATGCTTTTAGACGGTAATGAACATCACTT  
GTATACTTCTGCTTGTGGTTATTGTAT

>trans\_c\_12680EF469887|Helianthus annuus RFLP probe ZVG28 mRNA sequence

CAAAAACATGGCTTCCCAAACAGAGCCTTGGCTGATGGAAAATGGAACCCTCAAGCGCCTAACCAAAGAGCA  
TCGCACATATTGCCAGCTTGTCTGAGTG

>trans\_c\_12681Novel Gene

TGGCCGAGCTGGTTGGCTCTTCACAAACGGTAACTCATTCAAATGTGTGCGACGTCTGTAACCTATATTCCCGCG  
TGTTATGGTATCTCCGCAACAGCGCT

>trans\_c\_12682Novel Gene

TTCTAAACTCATATCCCTTTTGTGGGATCCTTGCCTTCGGCTTCGGCTGCTTACAGGCTTCACCTGTGGTGC  
TCTCACTGGTGATGGGGTTCTCACT

>trans\_c\_12683NM\_001067911|Oryza sativa Japonica Group Os08g0250900 (Os08g0250900)  
mRNA, partial cds

ATCTCGGATATAGAACTCGCCGGCTGATCAAACAACCATCTAGATTCCAAGGTCAAGAATTATACTCCCAGA  
ACTAGATTTGGCTAATTGGGACGCTA

>trans\_c\_12684FN179404|Hordeum vulgare subsp. vulgare partial mRNA for phosphoglucan water  
dikinase (PWD gene)

AGGTAGCCCTCATTATCCGAAAAATTCATCCATGTTGCCATCTTTAAATCAGAATTTACTGCATCTGTTCCGT  
TCCGTGCATATCACGAGCGACCTAG

>trans\_c\_12685EF688573|Gossypium hirsutum phosphatidylserine decarboxylase 1 mRNA, partial  
cds

AAACCAAGTTATGACCGGAGGCTTCTTGACTGATAAACAGGCTGCATATGGGTGGATGTTTAACGGCCTATCC  
GTTTATACGGGGGACGAGGCGTCGTGG

>trans\_c\_12686U87079|Marchantia polymorpha ribulose-1,5-bisphosphate carboxylase/oxygenase  
large subunit (rbcL) gene, chloroplast gene encoding chloroplast protein, partial cds

GTTGGGCGCTAAGCCATGCTTTGACATCCTCTGCTTGCTAGAACTTCTCCCTTGTCTTTGCTCTAGTGTTGA  
TCTGTGAATTCCTAAGACATCCTTT

>trans\_c\_12687Novel Gene

AGTCGTGCATTCTACTAGAGAAAAGTTCCCATTAGATTCCTTGTTGGATTAACCAAATGTTGTTTTAAGTCAA  
TGTTGGTTCACTCTCTTCTGTGACCT

>trans\_c\_12688M90641|Chlamydomonas moewusii P700 chlorophyll a-apoprotein A2 (psaB) gene,  
complete cds

CTTTTAAATCTTGATTCTAACTGCTAAACCCACCTCGTGAACCCGCCTCCACGAAATGCCCAGACTGATAAAC  
TATTCATACCAAAAGGATTATATCC

>trans\_c\_12689NM\_114781|Arabidopsis thaliana pectinesterase family protein (AT3G49220)  
mRNA, complete cds

CCTGTCGGTTGCCGAAGATGAAGTCGATTGTTCCGTAGATGTCGCACTCCCGAAAGAATTGACGATTGGAGTG  
CACGTAGAGAGTGTCTTGATAACCAAT

>trans\_c\_12690L43541|Pedinomonas tuberculata chloroplast large-subunit ribosomal RNA (rrnL)  
gene

GTGGCACAAGCCAGGGGGTAGCGACTGTTTAGCAAAAACACAGGTCTCTGCGAAGCCGAAAGGCCGAAGCGC  
GAAAATCTCTGCAAGAGAAAGAGCCCTCA

>trans\_c\_12691L43359|Pterosperma cristatum large subunit ribosomal RNA gene, partial sequence;  
chloroplast gene for chloroplast product

GCGTAACGATGGCCACACTGTCTCCTCCCGAGACTCAGCGAAGTTGAAATGTTTGTGATGATGCAATCTCCCC  
GCGGCTTGGTAAACTCTACTGCGGTG

>trans\_c\_12692NM\_001068481|Oryza sativa Japonica Group Os08g0451400 (Os08g0451400)  
mRNA, complete cds

GAGATTTCTTGATGTGGAGAACCAGGGTCATTGGATGCTTATGTATTAGAAGCTCTGGAGGATGGTCTTAAC  
GCCCTCTTGGACATTGAAATTCGGGGG

>trans\_c\_12693NM\_001051404|Oryza sativa Japonica Group Os01g0859600 (Os01g0859600)  
mRNA, complete cds

CAAGGGAGCTTTGAGAGTTCTAAGAATTGATGATGTAAGTGTTATCCATCTTGATATTGGCGAGAATATGGAA  
AATCTTTAGGTTATACCCGTCTATGGT

>trans\_c\_12694Novel Gene

TAGTTCAGCTTTCGTAATTTGTTTTCAACTAAATAATAAAGACCTTTACGAGATAATGCGAGTATTCGACTACA  
CTACATAACAAAGTATATATCACCC

>trans\_c\_12695XM\_002875992|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata transducin family protein, mRNA

AATGCTCGAGGATTGCACAATTCGATCTTGTGACTTTGACTCGGAACAACTTGTGTCTTGCATTCCCCTGAGA  
GAGGGATCCTGTGGTAAGAGAGACAT

>trans\_c\_12696NM\_122268|Arabidopsis thaliana ATPase E1-E2 type family protein / haloacid  
dehalogenase-like hydrolase family protein (AT5G23630) mRNA, complete cds

TGGCAAGAAGCCAGAATTTCAACTGTGCGCAAAGACACACTAGTCATGTCAGTTTCCAATTCCTCCTTATCGCT  
CAAACCAACTACTCCTCGAACCTCCA

>trans\_c\_12697Novel Gene

AAGTATATCGTATCTTGATCCGTTTGATCTCAATTCTCCTCTCGAATTCTTAAGCCTTCTAGTTATTGATTGTTA  
ACTTAGATTATGAATGCGGTCAAG

>trans\_c\_12698Novel Gene

CCTTTAGTCATATTTAGCGGCCTGATGCGGGGATCATCTTCCAATCTTTGAATCCTCTGTGGACTCTGCTTCGTG  
AAGCGCGCGAGCTCAGGCGCAATAC

>trans\_c\_12699XM\_002308946|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 4 (EBF4), mRNA

AATATCCAGCTTGTTCTCTTCCACCTTTACACCTTAAACAAGGCAAAGCTCCAGGGTCTAAATGTCACTGATGT  
GTCACTGTAGTGACGATTGTGCCGT

>trans\_c\_12700NM\_001068865|Oryza sativa Japonica Group Os08g0531000 (Os08g0531000)  
mRNA, complete cds

TGACGATACTTTCCCCAAACGATCGACGCTGAGTTTACTTTGCTGGTGTTCACACTTTTTATCTGATCCATC  
TTACGGCACAGAACGATTTCTCTTA

>trans\_c\_12701Novel Gene

CCCAAGAGCTCACATCATGCTATGATGACAGAATTAACGCTCTTCGTGATGGCTGGGTCTTCACACCCGTCTG  
ACTCTATAAGACGATACGCCCTATGG

>trans\_c\_12702FJ664250|Solanum tuberosum cultivar Desiree nuclear cap-binding protein (cbp20)  
mRNA, cbp20-4 allele, complete cds

AGTCTAGAAGAACTCCAATTATGAATCGAGACCGGAGAAGAATCCAAGGTTCCGCGAGAGTGGTGATTCTG  
ATGAAGGAACGTCATCGTCAATCCAGCA

>trans\_c\_12703Novel Gene

CAGCTGCCGGCGTAAATCCCACTCTTCGTTTTTATAAGACTATTTCTGCAAGAAGTCATTATAGTAGTACTGAA  
AGCTTGTCATGCGCGGTAGCAATACC

>trans\_c\_12704DQ150257|Vitis pseudoreticulata aldehyde dehydrogenase (ALDH1a) mRNA, complete cds

AGGAAATGGATTTGGCACATCTGCTTTGGCAGAGGAAGAACTTATCACTCCTCCTGTTTCAGATAAATTACACTC  
AAATAGACTAGTTGTTAAGACCCACC

>trans\_c\_12705Novel Gene

AGGTCAAGTTGAATGGTCATCATAGAGGAAAGTCCAATGCATCGTCGCCGAATGATCTACATGACCAGCCACC  
TGTTGTTTCAGTTACTGTGTCAAACACA

>trans\_c\_12706BT015433|Arabidopsis thaliana At1g80120 mRNA sequence

TGGGGGATAAGCTTCATCGGATGCTTCGACTAAAGTGTGCTTGAAAAAGATGTTTTTCTCTTTCTTTAAACC  
CTGGTTTTGATGGAGCTTTCGCTATG

>trans\_c\_12707EF567076|Astragalus membranaceus phenylalanine ammonia-lyase (PAL) mRNA, complete cds

GCGGGCTAGGCTAGGGTTTCTACTTCCAGAAAGGTTAGAAGGCAAACCGTTGTTATAAAAAATCATTCACAAGT  
TCGGAATAATTGGGCAAACATGAGCTTG

>trans\_c\_12708AF518566|Glycine max methionine synthase mRNA, complete cds

AGAAGAAGCTTAATCTCCCAATCCTTCCAACCACCACCATTGGCTCTTCCCTCAAACCTGTTGAACTCAGGAGG  
GTTTCGTCGTGAATACAAAGCTAACAA

>trans\_c\_12709Novel Gene

GGTGTGTTGGGGTCCAAAAAGAAAAAGAATCAGTAGAGGCCAAACAAAGCTCCAAACTCAAATTCACCTTAAAA  
CAAAGAAGGCCCATTTTTAAATTATTT

>trans\_c\_12710Novel Gene

AGCCTAGAAAAGAAATGAACAGACTTTGATGAGAGTTCTAGTTTGTGGTCCCTGCCTTTCTTTTGTTCCTGGA  
ACTTGATATTCTCTATCCTCGCCGAG

>trans\_c\_12711XM\_002301573|Populus trichocarpa amino acid transporter, mRNA

AGGCCCAACTCTTTCACCATAGCTGGCAAAGCCATGATCCCAGCACCAATGATTGTGGTCGATAAATTAAACA  
CTGCCCCGCTAAAGGAAGCTCCACTGA

>trans\_c\_12712X94999|M.crystallinum mRNA for V-type ATPase c subunit

ATCAGCTTTGGCACTCTATGGACTTATTGTGGGCATCATTCTCTCTTCCCGAGCTGGTCAGTCAAGAGCTGATT  
AAGTGATGAAATGTTTTGAGCTTGGA

>trans\_c\_12713AL161536|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 36

GAAACCTTTTCTTTAACAAGCTCCTCTGCTTCGACATATTCATCAAGTTCTGGGCCACTCTCATCACCTTGTTTA  
GGAACGCTCGAGGGAAGATCCCATG

>trans\_c\_12714EF140832|Gossypium hirsutum AT-hook DNA-binding protein (AT1) mRNA,  
complete cds

TCGTATGTAACCGTGCCTCCTGAAGTCGAAGGCTGACGAAGAGTAACAGTGGAAACAGCACCATTGCTGAC  
AAGATGCATACAACTCTAGGTCCTGCT

>trans\_c\_12715AJ295838|Populus balsamifera subsp. trichocarpa ccr gene for cinnamoyl-CoA  
reductase, exons 1-5

AATCGGTAATGAACTGGCAGATGAGGATGCTAAGACTAGGGAACACACAGCAATTTGCAGGGAAGACG  
GTGTTGCAGGAGCCCCTAGAGAAGCCCCC

>trans\_c\_12716XM\_002874072|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata DNAJ heat shock N-terminal  
domain-containing protein, mRNA

AGCAAAAATGGCAGAACTTCGAGGTTACACAGGGAAGCCAGTTTATTCAGTGTGGTTGGGGTCAGAAAGCGA  
ACAACGGGCGGTTTTTTGTTTCGAGGACA

>trans\_c\_12717XM\_002894487|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ubiquitin-protein ligase 1 (UPL1),  
mRNA

AGGATGATGAACTTGCACGTGCACTTGCACCTTCATTGGGAAATTCATCAGAATCATCTAAAGTAGATAATGG  
CGACAAGCCTATGGATGTATTGACGGA

>trans\_c\_12718AB111101|Vitis vinifera gypsy-type retrotransposon Gret1 DNA and VvmybA1 gene  
for myb-related transcription factor, complete cds, cultuvar: Ruby Okuyama

GGTTCCAAATTAATGCCGGATATTTTCCTAAAACCAATATCAAAGGAACGCTGCCAGGCCCTGCTCCACCATG  
TTGTGATATTTTCGGCTTGGGACGCCT

>trans\_c\_12719NM\_001068353|Oryza sativa Japonica Group Os08g0420600 (Os08g0420600)  
mRNA, complete cds

TCTTGTTCCTCAGATGGGTGGTGGATTGAGGAGAAGGCAAAGGTTATCCAAACCTTGCTCTTACAACGACCA  
AATTGTGGACATCGTGGCTGTCTCCC

>trans\_c\_12720Novel Gene

TTCCGGCGGTGGAGGTTTCAGGAGAGGGAGACCAAGGCGATAAAGGTAAGGAAGTTGTTGATGTTGACGAC  
TGCGGAACAAGCAGCACTCTGTGGCAACG

>trans\_c\_12721XM\_002879153|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata scarecrow transcription factor  
family protein, mRNA

AGCCAGGATTCCGCCCTGCTGAACGTGTTGAGCAGACTGGTCGTCGCTTGCACATTACTGCAAAGATTCAA  
TGTGCCATTTGTGTCAAAGCACAATTA

>trans\_c\_12722AL161501|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 13

TCAATCATCACCACCTCCAACAAGAAATCTTCTCCAATCATCCAACAAACACAAACAACACAGACTGGACT  
TGCACACTCTGTTTCTGTTTCTCTAC

>trans\_c\_12723EF205595|Mangifera indica large single copy region, partial sequence; and inverted repeat, complete sequence; chloroplast

ATAGTGCTTTTTCAACTCTCTCAAAATGGAATCTATTCCAAACATATATGCCATGGTTCCTTACTTCGACAGGGT  
ACAAATATCTAATAAACGATACGGT

>trans\_c\_12724NM\_113129|Arabidopsis thaliana PMH1 (PUTATIVE MITOCHONDRIAL RNA HELICASE 1); ATP-dependent helicase/ DNA binding / RNA binding (PMH1) mRNA, complete cds

GGGAAATGACTCACGACCTGTACGGCCTGATCTATGGACAAATATTTCTGTGTTGTTTGGTAGCTCAAAATGT  
ATTACGAGATCAACATTAGGTATATCA

>trans\_c\_12725EF014251|Douglasdeweya wangii voucher PI 401330 internal transcribed spacer 1, 5.8S ribosomal RNA gene, and internal transcribed spacer 2, complete sequence

GCTCTCGCATCGATGAAGAACGTAGCGAAATGCGATGTCCAGTGTGTTAACCAGGAGAAATCGAACCACCGA  
GTCTTTGAATATGGACCATATTTTTCTA

>trans\_c\_12726NM\_001070415|Oryza sativa Japonica Group Os09g0553300 (Os09g0553300)  
mRNA, complete cds

AGTGCCGCCTTTTTCTCTTGACGATATACCTTTTGATTCTCTTGCAATTTTCATCCATGCTGGTTACCTTAAGACT  
GTATGTTGAGGATGTCAAGGCAGG

>trans\_c\_12727NM\_001186837|Oryza sativa Japonica Group Os04g0168400 (Os04g0168400)  
mRNA, complete cds

AGAAGAAGAAGGAAGGAGAAGGAAGGGATAGGGATTTTCTAATGGTAGCAACAACATTCATTGCAGCCATG  
GCTTTCCAAGCCGGGACGAATCCTCCAGG

>trans\_c\_12728NM\_001053552|Oryza sativa Japonica Group Os02g0529900 (Os02g0529900)  
mRNA, complete cds

GCGACCCCAGGTCAGGTTTCTCGTATTCAATCTTTTCATGGTAAAGGGCTTTGACACCAACCAACCGGAAAAAG  
TCTTAATTGCCTCTGTGGCCATATAAG

>trans\_c\_12729FJ619533|Arabidopsis thaliana floral homeotic (AP3) gene, promoter region and 5' UTR

TGAGAACTGAATGTTTTACCCTTTTCATCTGTGTGCATTTGCAGATAAGGGCAATGCGATTTATATTTGAGTCG  
AACCAAACCTTGATGAAGCAGTATTT

>trans\_c\_12730CP000588|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 8, complete sequence

GAAAGATGGTGAATATGCCTGAGCGGGGCGAAGCCAGAGGAACAGAGAACAAGATAAATGCTATATACTG  
ACGTGCAGGCTACCTACTCAGTCCAGGTA

>trans\_c\_12731NM\_001066366|Oryza sativa Japonica Group Os07g0526600 (Os07g0526600)  
mRNA, complete cds



CCTATTCATGGGGATTCCGTAGGCGCCTTGCCTTGGGGGAGAGGGACCTAGGGTGGACAAAGCCCCCAAG  
AGCCAAGCATGATTACTAATTCATGATC

>trans\_c\_12732NM\_001056037|Oryza sativa Japonica Group Os03g0238800 (Os03g0238800)  
mRNA, partial cds

ACAATGTCCCAATATGGCTACATATGAAGCACTGGTGTCCAATTACATCGTCGTTGCTGTATACATCCAATAAC  
CACATCATACTCCCCAGGCTCTCCCA

>trans\_c\_12733Novel Gene

TGGGAAATGAAGACTTTAACTTTACAAGTTGTCTCCATCTATGATACGACTTGAGATAAACGTGCAGTCAGACT  
AGGGATCCTGGTGAGCTTGGCCCTGC

>trans\_c\_12734CP000589|Ostreococcus lucimarinus CCE9901 chromosome 9, complete sequence

TGTGTGCACAGCCAGCGTGGTTGCCATGATGACCTTAACATTCAGTGTCTGGTGAACCCATCCATCTGATTTA  
GAAGTTCCATGAGAATACGCTGGACT

>trans\_c\_12735NM\_103924|Arabidopsis thaliana SNF2 domain-containing protein / helicase  
domain-containing protein / RING finger domain-containing protein (AT1G50410) mRNA, complete  
cds

AGAATCACAAAACACAGGTAGCCAGGGCCTGTTGTGGTCTGCGGGCAAACGGAGGTGGTGTCTGTCAGGA  
ACTCCTATTCAGAATGCAATTGATGATCT

>trans\_c\_12736AB468155|Glycine max GmPhyA3 gene for phytochrome A, complete cds, cultivar:  
L62-667 (Harosoy-e3)

AGTTGGGAATAGAACAAAGGGAAATTCTGCTTACTAGCTTACACTGTCAAAGCAAATCTCCAAGGTTCTGGA  
AGAGTCTGACCTTGATCTTTAGCGATC

>trans\_c\_12737Novel Gene

TTCGAAGCGAAGTTCAGTCCTACGCGAGATTCTTGAGAGGACCTGAATAAAAATTGGATCTAGCTGTCTTTG  
AAATTGGCCCTGATTTTGTGTAAACC

>trans\_c\_12738AM748036|Arabidopsis thaliana genomic region affecting the accumulation of  
flavonol 3-O-gentiobioside 7-O-rhamnoside, ecotype Landsberg erecta

TCTGATGGAAAGCCTCGAGAAGTTCTTAAGAAAGGAGTCTCAAGATCTTGCCCTTGAGAGCAATTTGAATGAG  
TTAGAATTTGATAAATAAAGTCTCTCC

>trans\_c\_12739NM\_126762|Arabidopsis thaliana cytochrome b (MTCYB) (COB) (CYTB) (AT2G07727)  
mRNA, complete cds

TTACGCACCTCATGTGGATCTAGCTTTCAACAGCGTAGAACACATTATGAGAGATGTTTCAGGGGGCTTTGGT  
TCTTAAACGGACACGATGCCTGTTTTG

>trans\_c\_12740NM\_001189339|Oryza sativa Japonica Group Os10g0556801 (Os10g0556801)  
mRNA, complete cds

CGGGTGTCCCCAGATTGTGATAAGAGCAGCTTCATCCCGACTTATACATCTTAGTATGATCTCAGGAACCTCG  
GCAATAACACCCTGGAATTCAGCTTC

>trans\_c\_12741FJ590953|Dimocarpus longan cell division cycle protein gene, complete cds

AGGATGAGGATAGATTAGATGAAGTTGGTTATGATGACGTTGGTGGTGTAGAAAACAAATGGCACAATAAG  
CACTTAACCATCTTGAAGGAGACTCTGT

>trans\_c\_12742Novel Gene

GACCTCCACTGAACATATCCACATGTGCACCAGCTTCAACAGTAATCCTTGGAAGAGACGTGAATCTGCATCCC  
ACTTCACGCTCAATCATTCTTATAGC

>trans\_c\_12743AF097252|Viola cucullata internal transcribed spacer 1, complete sequence

CTTTTAGGGTCGAGGAATTCGAAGACGGCTCGGTGGCTTTGCTTGCTTGAAGGAGATTATGCCATGGAGATC  
TTCAAAGAGGGGAGCCTTTATGATCTT

>trans\_c\_12744AB281589|Nicotiana tabacum NtROS2b mRNA for repressor of silencing 2b,  
complete cds

TCTTCTGAGCTCTAGGACTTCTACTTGTTCTTGGCGTCATTTTAGGATCTGGAAGTGTGGAAAATGTTTCTGATT  
AAATCATTCAAGCTCTGAGTCATTT

>trans\_c\_12745Novel Gene

TGATCGAATGTGTAGGATAGACGGGAGGTGGTGACACACAACGCAACCGAAGTCCCTCAACAGAGGGATGA  
GCCTTCGTAAGCCAATAATACTTAGACCC

>trans\_c\_12746Novel Gene

CAGGCCGAAAGTTCTGATGGCGTGCTATCTGAAACTGTAGAACATACTGATGGTTCAGCTGACATTCATGGTT  
TTGATTCATATAATGCAGAAATGGATC

>trans\_c\_12747XM\_002301363|Populus trichocarpa GH3 family protein (GH3-12), mRNA

AATAGAGCAATTTGAGGAAATGACCAGAGATGCTGAAAGAGTTCAGAGGGAAACGCTTAAGAAGATTTTGG  
AGGAAAATGGGTCTGGCTGAGCGTCCATGA

>trans\_c\_12748HM122642|Malus x domestica MYBR domain class transcription factor (MYBR17)  
mRNA, complete cds

AGGTCAGATGACTGTTGATGAAGCAGGAAGTAGCTCCTTGTGGAGTTTAGAACAGGACAAGGCATTTGAGAA  
TGCACTTGCAAGTCATCTGCTTCGTCG

>trans\_c\_12749Novel Gene

TCATAATTCTAAAGGACTTTGAGAACATTAGATTACTCGTGCGCAGATTATCAATTCAATTAGGTTCTGTTACTG  
CAGAATGAACCCTCCAAGTTTAGGGA

>trans\_c\_12750NM\_001056180|Oryza sativa Japonica Group Os03g0265100 (Os03g0265100)  
mRNA, complete cds

AAAGATTTTCACTGGCATGCCTGCAGTATTTACCGGAATGTTATCAGGGGAAGAGCTATCTCAGGCTTATGCT  
AGTGGCGACCAAAAACAAAACGCTTCT

>trans\_c\_12751AB429304|Arabidopsis thaliana EYE mRNA for conserved oligomeric Golgi complex  
component 7-related, complete cds

TTCCAAATTCATGAATCTCTGAAACGGAAGAACATCAAAGCAGCGATGAATCTGGATTTAGGTCCCTTCTCCG  
GCGAGAATTTTGACCCGAAGAAATGA

>trans\_c\_12752NM\_180137|Arabidopsis thaliana SPL1 (SQUAMOSA PROMOTER BINDING PROTEIN-  
LIKE 1); DNA binding / transcription factor (SPL1) mRNA, complete cds

CCTCATGTTTTGCGAGCTCAGGTTCTCGATTGGTTATCGCACAGTCCCACAGAGATAGAGAGCTATATCAGGC  
CTGGTTGTCTTATAAATTTGGCGCGTC

>trans\_c\_12753Novel Gene

GCGCTTAACTAAGGATTAGAGGGTCCCATACATTGCCCAGACTAATTTGAAGTTTGTCCAGTATTCATCTCCAC  
CATTCCAAGAATGCATCCAATACTTT

>trans\_c\_12754NM\_001063743|Oryza sativa Japonica Group Os06g0228500 (Os06g0228500)  
mRNA, complete cds

TGGCAACTAAGTATAGCTCCACATACATGAAAACCGATACTACTATCTTCCCATTGTTTCCAAATGCAAGCTCTC  
CAACCTCCGGATAGGTTCTTATATC

>trans\_c\_12755EU591745|Ipomoea batatas expansin-like 1 protein mRNA, complete cds

CCTTCTTTTCCGATCTGACCGTGACCCCATTCGAAGCTTCTTCTTTCACCAAGCTTCTCTCCGCTATCAACTTTA  
ACTTTCGTCTGTATTCTTAGCC

>trans\_c\_12756AY049041|Triticum aestivum 28S ribosomal RNA gene, partial sequence

TTCTCAATAGAAAAGACGAATTGCCCCCGCCAACCCTGGAAACGGTTCAGCCGGAGGTAGGGTCCACGCCTT  
GTAATGATTCTCCGTGTGAGCAGACGA

>trans\_c\_12757FJ792864|Warneckea cf. erubescens Stone et al. 2435 isolate S2435 external  
transcribed spacer and 18S ribosomal RNA gene, partial sequence

CATGGTCGGATACACCGTTGACGGTATAGGTTGGTCCCCATTGACAATGGCATCTATTGCGGGTTTGTGGGA  
GTGGGTCTAATGCATCTCATCCCGGAG

>trans\_c\_12758Novel Gene

TAGTGATGAAGATTTTGA CTCAACCTTCAAGACGGTTATAATAGTAGTTGAATGTTTTTGGGTTTGTAGGTTGC  
TTTAAGGGTTCGGGACCCAATCTCTG

>trans\_c\_12759AM292034|Coccomyxa glaronensis chloroplast 16S rRNA gene, strain CCALA 306

TTAGTGGCGCAGCTAACGCGATAAGTAGACCGCTGGGGAGTACGGTCGCAAGACTAAAAC TCAAAGGAATT  
GACGGGGGCCCCGACAAGCGGCGGAGTG

>trans\_c\_12760AY323823|Chlamydomonas reinhardtii isoamylase (Isa1) gene, complete cds

AGGTTTACCACCCTAGCTTGGTCCACGCTCAGAGCATTTTGCGGTAGACCCGAACGGTCCAACACAACCTACCC  
ACGGCAGCTCCCAATGGTGCGGTAGTT

>trans\_c\_12761Novel Gene

AAAGGAAAAGTTGAAAAGACGCTAATACCCTTCTTCTTCATCTTTCCCGTCTTGTTGTTGCTGTTGTTCTCTGT  
GTGGAGACTCCTATCTTTGGCCCTA

>trans\_c\_12762AY124845|Arabidopsis thaliana At1g75220/F22H5\_6 mRNA, complete cds

ACCGACCCAATTTGCAATAACTCGGGATCTTGGACTTACTGTCTCGGAGTATTCTTTATTTGGTTCTTTAAGCAA  
TGTTGGTGCTATGGTTGGGGCACGC

>trans\_c\_12763GQ853549|Citrus sinensis cultivar Pera tetratricopeptide domain-containing  
thioredoxin (TDX) mRNA, complete cds

TGAATAATGGCAAAGGCACCAAGTTCGTGCACGTAAGCGTGTAAGAAAACAAGTCTCTGATGGCGTGGCTCAT  
ATCCATGCTTCTTTTAACAACACCATCG

>trans\_c\_12764AY146587|Triticum turgidum subsp. durum Pm3 locus, genomic sequence

CATGCCACTTGCAGATGTCACTCTGGAAGGAATTTGCTTTCGACACGGTCTCTGACATAAACAGCAGAGGACA  
GGACGTCCAGATTGATGATACGCAACA

>trans\_c\_12765NM\_001061964|Oryza sativa Japonica Group Os05g0388500 (Os05g0388500)  
mRNA, complete cds

ATGTTTTACAGTTTGGCCAGTTCCTTTAGGCAAATTTACAGTTGCTCTCAGCTGTTGATCATTATATTTGGGATC  
AATGTTTAACCGAAAGTGGGCTTCA

>trans\_c\_12766Novel Gene

CAGAAGAAGGAATCGGATCCATTGGAACATATTGCAAGGACAACCCAGAGACCGAGTCCGTGATACAAGC  
ACTGTTGACTCATGCACCCACATACACC

>trans\_c\_12767AB185246|Phaseolus vulgaris ds-RNA replicon gene for RNA-dependent RNA  
polymerase, partial cds

GCGCATATTAAGTCGTCTCAATCTGCGTTTGACTTCTACAAAGAGGTTTGAGTAAATAGCGCAAACAGCTTTTC  
TTTGCCAGACAATAATTCTTGCTTGT

>trans\_c\_12768Novel Gene

AAGAATTATATATTCAGAGTTGACTAAGTTGTCGGCTCGACGGTCTGGCGATGCGGCGGCTGAGCTTTGGGC  
GAGGGGGCCTACGCTTGCGGAGCGACT

>trans\_c\_12769NM\_112557|Arabidopsis thaliana TPR2 (TOPLESS-RELATED 2) (TPR2) mRNA,  
complete cds

CTGGATATACTAAAGTCGATGATAACAGATACTCGATGAAGATATTTTCGAGATAAGGAAGCAGAAGTATCT  
TGAAGCCCTTGACCGGAGTGACAAAAC

>trans\_c\_12770AL161564|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 64

AAAGTCGAGTTTTGTTCCCGTCCACCTATGTGGTATTGACATTCTATTCTCTTTCTATCCGGGAAAAACACGAAT  
GAAAAATATAAACAAAAAACTAATG

>trans\_c\_12771FJ805279|Sambucus canadensis DIV1aa protein (DIV1aa) gene, partial cds

GAAGCAGCTGATAAGCCAGACAGGAGGAAAGAACGTACAACCAGAAGTTCAGATGCAGCAGCTGGAAGATC  
TGTATCGGAAGATCAAATTCAGGCGAGTG

>trans\_c\_12772NM\_001060705|Oryza sativa Japonica Group Os04g0664500 (Os04g0664500)  
mRNA, partial cds

AGGACGTTACAGAAAGGGAACAGGGGAGGTTTCGCCCCGAAAGACATGGGCTCTAGGACTTTGGCACACGGA  
TGCCTGCGTCAGAGCCCGTACCGTTGTAG

>trans\_c\_12773DQ115326|Gossypium hirsutum strain CNH 123 genomic sequence

TCAGGCAAGTCTTCGCACGGACCTGTGTTTTAGTAAACAGTCGCTTCTCACTGGTCTCTGCGACCTCGTTCAG  
CTCACGGAGCAAGTCCGGTCACCAAG

>trans\_c\_12774Novel Gene

TCAAATCTTCCTCAGCACAACTAAGAAAACATCATTAACCTTTGTTTTAAGGAATGAATGGTGTACAGTAACA  
AATTCTGAACCAGACAACAACCTCTGA

>trans\_c\_12775XM\_003081100|Ostreococcus tauri unnamed protein product (Ot09g01580) mRNA,  
complete cds

CGTGAAGCCCTCCTCAAGATGAGATTTCCCATATCTTTAAGATAGTAAGACCCCTGAGAGACGATCAGGTAGA  
TAGGCTAGGGACAAGAACATGATGATG

>trans\_c\_12776AL161560|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 60

CAGGTATCAGAATTTATATATAACTGACCAATACTCTCCCAATGGTCATTCATCTAATTTAAGCAATCAGCCTTT  
GGTTTTCAAAAAGAGCCCTCTCTCC

>trans\_c\_12777Novel Gene

TCAAAGAATTTGGCACTTGAGATTATTTGAACTTGAGAGTGTGTTGGTCTGTTTGGCTGAAGATATGACGACT  
ACTTCGCGTACAAATTCTCGGCGAAAC

>trans\_c\_12778CP001325|Micromonas sp. RCC299 chromosome 4, complete sequence

GTAAGAATGATGGTAGACGAGGTGTTCCGTTACCTTATACTATTGTTGTCGGCTACCTCTGAGGTTTGAGGAG  
CCATCGACATCGACTAATTTCTTTGTG

>trans\_c\_12779GU120631|Prunus persica cultivar Ruipan 4 ethylene insensitive 2 (EIN2) mRNA,  
complete cds

GGGACAATTGTATGATTTCATGGGGTGGCTACTCAAGATGCAAAGGTTAAGAACTAGATTTGTTGCTGGGT  
ATTACCTCTCTGATTACCATACGTTGT

>trans\_c\_12780AB443618|Camellia polyodonta chloroplast DNA, atpI-atpH spacer region,  
specimen\_voucher: NIFS No. 776

AGATTATCCCACATGGAGACAATCAATCTAAATGAACGAATTCATTAGTCCGAATCCTTGCATAGAAATATCAA  
TATTTTGCTAATCTAAGTTCATGTAA

>trans\_c\_12781XM\_001690320|Chlamydomonas reinhardtii strain CC-503 cw92 mt+

TAGTCTTTGCTGGATGGGTTGGCTTCTCATTGGTTTTTCCAGAAGGAACAGAAGATCCAGCGTTGGAGGTATT  
CTGGTCTGTGTTTGAGGCAAGCCCTTC

>trans\_c\_12782AF022457|Glycine max cytochrome P450 monooxygenase CYP97B2p (CYP97B2)  
mRNA, complete cds

CTATAACTCGTCTCCTCTGCTTCCAAGTGTCAGATCAGCAGGTATTAGTCCTTTGCCATTATCGGTTCTAGAA  
TATCAGCAAGCACTCCCTTGTCATA

>trans\_c\_12783Novel Gene

AGAGAAGATGTCTCTTTCTTTCTTTATCTGTAATGCTGCTGCTGCTACTACTCGCCTACTACTACTAGTTC  
TTGTAGTAACGTGCTATTGACGGA

>trans\_c\_12784DQ071855|Cicer arietinum cultivar ICCV2 ISSR marker UBC825-708 sequence

TCCTACATATGATATACTATCTTTATTGCGTGTAATTGAGGGATTGAATCAGCTTGCTCCACGCCTAAGGGCAC  
AAATCGTGTCAGATCACGGGTACTCT

>trans\_c\_12785Novel Gene

ACATTGTAGAATCGTCTAGACAGGGAATTATCTCTAGTTGCTATCGGCTAAAGGACCTCGTAGAAATGGACAG  
TACGGGTTTGTCGAAGTATGCCGTCAA

>trans\_c\_12786Novel Gene

CCAACTGAATCCTGTCGTCCTATTAAAGGACAGCCCAGCAGACGATCACTAATTGCTTGGGCAGACTGAGGCG  
GGCTGGAAACCACAAAGAGACTCGACG

>trans\_c\_12787Novel Gene

TTTTAAGTAAGTAAAGGAGACGTAAGTAAATATTATGATAGCCTCACTTTGTTCCCTAGATTTCTTCTTG  
TATCCGATCTGAGATAATCATTGTT

>trans\_c\_12788HM748321|Chlamydomonas sp. ICE-L beta-tubulin mRNA, partial cds

TGTGGTTCCCAGCAATACAGAGCTCTGACTGTTCCCGAGCTTACCCAACAAATGTGGGATGCCAAGAACATGA  
TGTGTGTCATCAGTTTGTAACACAAGT

>trans\_c\_12789XM\_002879612|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata ADK/ATPADK1, mRNA

GGGAAATGGAAATCCTGGAATGAGCATGCCTCCACTGCTTCCCCCACACATTGCATGACCAAATAATTAC  
TCGGGCAGATGATACAGAAGCAGTTGT

>trans\_c\_12790XM\_001699658|Chlamydomonas reinhardtii FAD-dependent oxidoreductase  
(CPLD32) mRNA, complete cds

CGTTAGTGGTCGTCTCGGAAAACCGTGGGGACCACCACCGTTCATTACGTGAGGCATTTACACCACGGGCTTC  
TTCCGCCGTTGCCATTATTAATTGGA

>trans\_c\_12791EU526015|Solanum chacoense nascent polypeptide associated complex alpha  
mRNA, complete cds

GCTTTTCTTCTACTCATCTCTAACGCCATGACTGCTCAGACCAAGGAAGAGCTTCTCGCCGCTATCTCTGAAGA  
GCAAAAAGATTAATGCTGATTCCAAA

>trans\_c\_12792NM\_125291|Arabidopsis thaliana protein kinase-related (AT5G59010) mRNA,  
complete cds

AAAGCACTTGTTTCATTGGGATTCTCAACCTTTGAAATGGACCATGCGGTTAAGAGTGGCCTTATATATTGCAC  
AAGCTTTGGAGTACTGTACAGTACCG

>trans\_c\_12793NM\_001050916|Oryza sativa Japonica Group Os01g0771000 (Os01g0771000)  
mRNA, complete cds

ACTTTGCGTCTGTCTCTTTAGTAGTGTTTTGAGTGCTTTAGGGATGAACAAAGTCCCACATATTCATATCCGCTT  
CCCCTGTCCCACTGATCTCCCGAAA

>trans\_c\_12794NM\_125799|Arabidopsis thaliana dehydration-responsive protein-related  
(AT5G64030) mRNA, complete cds

GCACCGTGGTTGAACTGGGTCCCACCACCAGGAAATGTTAAGTACTCACCAGAAACCTTAACCCAATTTTGAT  
GTCCCTTAACCTCAGCAAGTTTTGTGT

>trans\_c\_12795CP001328|Micromonas sp. RCC299 chromosome 7, complete sequence

AAATCTATTAGCCCTCCTACCGCCACGGTCACCTCCCGTCCAAACAACCAAAGCGCTCTCGCCTTGC GTGCGC  
CGAACCGCAGGTGCGCCAGCCGCCCT

>trans\_c\_12796Novel Gene

GGGGTTTCTCGACTTACTATTAACCTACCCCCGTAGGGATGGTATCCACAGATGATGGGTTTCTTTATCCCAT  
TTTGTCTACACTAAGGTAGAGTATAA

>trans\_c\_12797Novel Gene

CAAAACCCCGCCGTTGCAAATTTGGAGGAGATTGATAGAGAGTATCTTGATTATGCCGCCGATAGTTTCTGAC  
AAAAGGCTCTCTCTATCACCGATGCGA

>trans\_c\_12798FN563104|Pyramimonas parkeae plastid 16S rRNA gene (partial), ITS1, tRNA-Ile  
gene, tRNA-Ala gene and 23S rRNA gene (partial), strain CCMP 726

GATCCATCGAAGGTTGTTAGATGTTGCCTGGAGCACGCAGCTTCTGTTTCCAAACTTTCTGACATCCGATGC  
TGTTGTAGTTGATATGAAGGAATCAC



>trans\_c\_12808AY108241|Zea mays PCO134818 mRNA sequence

TTTGAGATGATTACTGGACGTAGACCTGTAGATACAACTCAATCATTCATGGACGATGGATTGCTCGATTGG  
GCAAGGCCATTACTACTTCGGGCCACG

>trans\_c\_12809NM\_119395|Arabidopsis thaliana pentatricopeptide (PPR) repeat-containing protein  
(AT4G32430) mRNA, complete cds

ATGGAAGGTGGTTACTACGTTTGATGGTTCAGAGAAAAAGCAGCGTCTCCGGTGTTGAGTGGTTTAGGAATT  
GGTTTGTAGTTTGTGTTTTTGAGCGTGT

>trans\_c\_12810Novel Gene

GAGGCGTATTTGGTGGGGTTGTTTGAGGATACAAATCTTTGTGCTATTCATGCTAAGAGGGTTACGATTATGG  
GCTTCCTATAAGTTAACCGGTCCTCTC

>trans\_c\_12811NM\_001057104|Oryza sativa Japonica Group Os03g0586500 (Os03g0586500)  
mRNA, complete cds

TGTGCAACATGCGTTTCAGTGTTTAAGCCCCGCTCCATCGGAGATTTTGGGGATTCTTCGATTCCAGTTTTTAC  
CAGCGGAGAAGCGTTTACGAATACA

>trans\_c\_12812NM\_105779|Arabidopsis thaliana RSW10 (RADIAL SWELLING 10); ribose-5-  
phosphate isomerase (RSW10) mRNA, complete cds

CGAGCAAGCTGTTTCATTGGGCATCCCTCTCTCAGACCTAGATTCGCACCCTGTTCTTGATCTCGCAATCGACG  
GCGTATACAGAACATCGACTTATGAG

>trans\_c\_12813Z22645|S.tuberosum invertase gene encoding beta-fructofuranosidase

CATCAGAAGCTGTTGAAGGGACATACTGTTGAGGTTAAAGGAATTACTGCTGCCCAGGCTGATGTTGAAGTTA  
TCTTCAGCTTTTCAAGTCTAGATAAAG

>trans\_c\_12814XM\_002869840|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata vesicle-associated membrane  
family protein, mRNA

CGATCCTTCCAACAAGCTCTACTTTCCATTTGAGCCTGGGAAGCAGGTCAAGAGTGCTATTGAGATAAAGAAT  
ACAAGCAAGAATCATGTGGCTTTCAAA

>trans\_c\_12815XM\_002866494|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata pectate lyase, mRNA

TGAAATATGCGATGCGTCATGTAATACAAGCTTTAGCATTAGCGACATCTGGGTACTATCGCGTCGATTAAACCC  
GTCATTGCAGTTTGATAAAGAGCAAT

>trans\_c\_12816NM\_102367|Arabidopsis thaliana TEM1 (TEMPRANILLO 1); transcription factor  
(TEM1) mRNA, complete cds

TCGGGGTCGGATTCAAAGAGAGAAGTGCTGTTTGAGAAAACGGTGACGCCAAGTGACGTGGGGAAGTTGAA  
CCGGCACCACTAAGGCTTCGTTGTGCGCC

>trans\_c\_12817L03352|Glycine max chalcone synthase (chs6) gene, complete cds

GTGTGAGGTAGTGGGTGTGTCTCTCTCTCCATTCTCTCAATGTTTTGCTGCTCCAATCTTCAGAAAACCCTCTG  
GCCTCCACCAGAACATGTTCTCCCG

>trans\_c\_12818AL161496|Arabidopsis thaliana DNA chromosome 4, contig fragment No. 8

GTATTTTCAGATGATCAATGAAGCAATCTCGTCACTCACATCTCCTCTTACCTAGCTCAGGCATGCGGTATCGCT  
TTATGTACCTCCTTTTTGTGTTCCG

>trans\_c\_12819AF030179|Chlamydomonas reinhardtii herbicide-resistant protoporphyrinogen  
oxidase precursor (Ppx1) gene, nuclear gene encoding chloroplast protein, complete cds

CAGCATGTGAATCTCCAACATAGGCATGCATCTATGCAGGAGTTTAGTGGCAGACAAGAGTTTGATGGTCGAT  
CTGAACTGTACAGGAGAAGACAATGG

>trans\_c\_12820XM\_002312221|Populus trichocarpa SET domain protein (SDG942), mRNA

AGAAGCTGACTCTGAAGAGATTTACCATTGCTGGCTGCTAACAATCAATGTATACGATCTTGGGGACAACACT  
GCAGTTGTCGGAGATTCAGAGTAGTTG

>trans\_c\_12821NM\_001073741|Oryza sativa Japonica Group Os12g0601300 (Os12g0601300)  
mRNA, complete cds

TATGTAAGCTATGTGGACCTCTCATCAGCCCTGGAGAAAATGTTTCAGCAGTTTCACAATTGGTCACTGTGGCTC  
TAATGGAGTTCCAAACCGGGATGTGT

>trans\_c\_12822AY110764|Zea mays CL56159\_1 mRNA sequence

AATGGACAGGCAAAACGTTGCTCTGGATCGTGCTTCTGTTGATGTTGAGGTGCTTGGTGACCGAGTTAAAGAT  
GCCAACCGACATAACTACTACCCATCC

>trans\_c\_12823Novel Gene

GCTGAGCCGCGGATCGTCTCGCACCATGCGCTATTCGAGCTCGTAATCACAGAAACAGCGTCACTCCCATCGT  
CATCATCGTTATCCTCAAGAAGCTCTT

>trans\_c\_12824Novel Gene

TAGCACAGTGATGCCCGAATACCCCCAAATCACTTTATCTTTATGTCTTGAAAGTAGTTTAGGTTAATTCTTTTCG  
TTTAGGTGTCGCCGAGTCATAGTGT

>trans\_c\_12825Novel Gene

AGGCCTAGTGCCTGTGACAAGCCTACCCGTTACAGAGGTTGTGAACTGTTGAAGCGTCGTAGCAAGTATCGTC  
AAGTTGCACAAGGATCATTTGCGTTGT

>trans\_c\_12826XM\_002880771|Arabidopsis lyrata subsp. lyrata nitrate transporter, mRNA

AGAAAAGCATGGGAAGTCCAATAGTTCATATCTTCCAAGTCATTGTTGCAGCAATAACAAGAGGTCGATGG  
AACTTCAACTCAATGCTACTTTGCTATA

>trans\_c\_12827XM\_002308629|Populus trichocarpa ein3-binding f-box protein 3 (EBF3), mRNA

TGGAATTTCAAACAAAGCTTTGCTGGAAGCTGCCAAACACTGTCCTAATCTGACTGATATAACAATTGAGCGAA  
CACGTGTGCGGGGCAGCAGGACATAA

>trans\_c\_12828NM\_001074263|Oryza sativa Japonica Group Os11g0300700 (Os11g0300700)  
mRNA, partial cds

AAGTAGTTTTGTCCGATTATTTATTTGTTTTCTTTACACATAGATCTAATATACATTGGAATAATCAATGCAT  
CCTGGGAAATCCTCCATAAATAGA

>trans\_c\_12829XM\_002981200|Selaginella moellendorffii ATP-binding cassette transporter,  
subfamily F, member 4, SmABCF4 (SmABCF4), mRNA

AGAGGTTGAAGTTGGAGCAGGAGGCAGAATCCTTGGCTGCACAAGATGATGGAGGTGGGGAGCAGCTTGAT  
CGTATCTATGAGCGTTTGGAAGCGCCAAA

>trans\_c\_12830AY382290|Physcomitrella patens beta-tubulin 4 (Tub4) gene, complete cds

ATCTTGCTGGAACAAGCTGGGCTAAAGGTCATTACACTGAAGGTGCTGAAGTTATTGATTCCGTTCTCGATG  
TTGTACGCAGAAGAATTAGAGGCCAC

>trans\_c\_12831AY081851|Prunus dulcis 60s acidic ribosomal protein (AL60SRP) mRNA, complete  
cds

ATGCTGCAGCTGTTGAGGAGAAGAAGGAAGAGCCAGCTGAGGAGTCCGATGACGACATGGGTTTCAGCTTG  
TTTGATTAATCTGTATGTTAGAGATAATA

>trans\_c\_12832XM\_002322091|Populus trichocarpa autoinhibited H<sup>+</sup> ATPase, mRNA

CCAGTTTAGCTCCCCAAGCCAAGATTCTTCGAGATGGAAGGTGGAGTGTACAAGATGCGTCAGTTTTAGTTCC  
TGGTGATATTATAAGTATCCCCAGGTT

>trans\_c\_12833AY104341|Zea mays PCO142367 mRNA sequence

TGAAACTATGAATCATCTTTCTAGGCTGCAAGCTTTGGAGGAACGAACATTGATCCAAGTGCCTGGGAAGACA  
AGAAGACTCCTGGCGAAAGAGAAACAC

>trans\_c\_12834AY022270|Oryza sativa microsatellite MRG4595 containing (AAC)<sub>X8</sub>, genomic  
sequence

TCTTCTGATCTCCACTGAAGTCTTTATTACAACAACAACAACAAGTTTGAAGCTAATCTACAAATATAATATA  
ACATCAACAATCCCTATACTT

>trans\_c\_12835Novel Gene

CAAGTGGACCGAAACTCCCGGGAAATAAAGAGTGGACTCAGAGGATTTAATTCTTTGGATAACATGTTGAGTT  
CACCGGTTGATTTTCATTTTGGAGCAA

>trans\_c\_12836NM\_001068865|Oryza sativa Japonica Group Os08g0531000 (Os08g0531000)  
mRNA, complete cds

TGACGATACTTTCCCCAAACGATCGACGCTGAGTTTACTTTGCTGGTGTTC AACACTTTTATCTGATCCATC  
TTACGGCACAGAACGATTTCTCTTA

>trans\_c\_12837Novel Gene

AAAATCACCCGTCTTTTAACAACTTTTGATTTGATTTGATTTGATTTGACTTTGACTTTGACTGTTTCATTGTTA  
AGCGTTGATTCTCATAACTAGACA

>trans\_c\_12838Novel Gene

GTAGAGCTCCTTTTGAGATATCCTTCAAAAAGTGAACGATGCATCAAGTTCTGAAGACAGTGCATCTGTTGATG  
GAGAGACTGATAGTTTCCTGTTTAGAC

>trans\_c\_12839DQ407021|Meliosma squamulata RNA polymerase beta chain (rpoC2) gene, partial  
cds; chloroplast

GAACAATAGTATCATTGGAGTAGCTACACGACTAACTTTAAGTATAAGAAGCCGAGTAGGTGGATTGGTCCG  
AGTGGAGACAAGAGAGCGTGACTACCAG

>trans\_c\_12840NM\_128212|Arabidopsis thaliana HO2 (HEME OXYGENASE 2); heme oxygenase  
(decyclizing) (HO2) mRNA, complete cds

GGGTTTCTGAGAGACTTCTTGAAGGAAGAAAGCTTGAATTCTATACATGGGCTGGGGATGCAGAAGAATTGC  
TGACTTTACAAGCACTCTCTAGGGTGTA

>trans\_c\_12841Novel Gene

CACCTCTTAAAGAGAGAACTCTCAGAGGGAAAGTTCAACAAATGTGTAAGAAAAAACAGAGCTAAACAAG  
AAGGAAATGGCAGTTGCTTTGTGAGTAT

>trans\_c\_12842AJ579911|Lotus corniculatus var. japonicus mRNA for NIN-like protein 2

TGCTGTATGTCATGCACATAGACTACCTCTGGCGCTAACCTGGATTCTTGCTGTATTACTTTGGAGGCTGTTG  
ATGCTGCTGCTAGAGTTCGTGTGAAG

>trans\_c\_12843NM\_001124884|Arabidopsis thaliana transporter (AT2G21520) mRNA, complete cds

AGGAGAAAAAGTGATGGTCGGGTTAGTTCTGTTTCTATTGAGGATGTTAGGGATGTTGAGGAGCTGCAGGCT  
GTCGATGCAGGGATGACCAGTGATCGCC

>trans\_c\_12844Novel Gene

AGAGTCAAGTCAAGGGGGAAGGCCATACCTACATAGAAGAACCCTGTTTCGTTGACTTTCTAAGGTCTAACCT  
TTCGCTCCCCTACTGATGGAGCAAGGG

>trans\_c\_12845Novel Gene

TCTGTCAACAGAACTGATTCGGCTGTTTATGAACACCGGGATACATCTCTTTAGCTTTATATCCCCCTACTAGA  
GTCGTGGTTTCTGTACGACCCCCGT

>trans\_c\_12846FJ976682|Nicotiana tabacum cultivar petit havana SR1 SM10-2 (DCN1-2) mRNA,  
complete cds

CATATGAAGGCAAACACAGCACATGAGTTTTCCAAACAGGAGTTTATAGGTGGATTACAAGCACTAGGGATA  
GATTCTCTGGAGAGGTTCCGAGAAAGGA

>trans\_c\_12847GQ998199|Euonymus americanus voucher FLAS:W.S. Judd 8071 RNA polymerase  
beta subunit protein (rpoB) gene, complete cds; chloroplast

TTGCGGATCTCTTACAAGATCAATTCGGATTGGCTCTAGTTCGTTTAGAAAATATGGTTAGAGGAACTATTACA  
CCTCGTTGGCTCGTATAGCCGCGCAA

>trans\_c\_12848DQ071877|Manihot esculenta plastid ATP/ADP transport protein 2 (AATP2) mRNA,  
AATP2-B allele, complete cds; nuclear gene for plastid product

ACTGGGGTTGCTTTCTTTTCATTGATCTTGTGGAGGCCCGATAGCACCAATGCTTACACAGTTCGGCTTAAC  
TCCTCTCTCCACTGCTCAATATGTGG

>trans\_c\_12849EF617599|Boehmeria nivea beta-amylase gene, partial cds

GATGATTTGTTTTCTATGTTCAACAGTACATGAGAGCATCCCTTGAGGCAGCAGCAGAGGCCATTGGAAAAAG  
AGATTGGGGAAGCAGTGTC AAGTGCAG

>trans\_c\_12850NM\_001055616|Oryza sativa Japonica Group Os03g0167400 (Os03g0167400)  
mRNA, complete cds

ACTTGGAAGATTCTCATTGACTCGAATTCAATCTCCTGGATCTCACCCCATGTATTGGGAAACAACCATGTCTG  
ACAAAACTAGTGATTAAGCTTTGAC

>trans\_c\_12851AB480043|Cedrus deodara chloroplast DNA, complete sequence

ACCACTCTGGAAGAGCTAGAATTCTAACCTTGTGTCAGGACCTGTAAAAACCTTTCATGTCTCTCCATCTGTCTT  
TCTATGGGGTGTTTGTCCAGGGGT

>trans\_c\_12852EU096089|Hordeum vulgare subsp. vulgare calpain protease (Dek1) gene, complete  
cds

AAGTGTGCAATTATTAGTATTAACACTGTCAAGACCTACATTCCTGTCTCCACTGTAAGAGTATCTTCAACACC  
AGGCTGCGATTCCAAAATTTCTCT

>trans\_c\_12853AY700086|Bryophyllum delagoense microsatellite UQBdel104 sequence

ATATGCCTTGTTTCTAAGTCAATATATCCATCATTCCATGCTAATCAGTCACTACGTGCTGTTGTGAATCTAAGT  
GCCAATGCATCTTATTCAAGTGAA

>trans\_c\_12854NM\_001123987|Arabidopsis thaliana TOR (TARGET OF RAPAMYCIN); 1-  
phosphatidylinositol-3-kinase/ protein binding (TOR) mRNA, complete cds

CCTTGAGAGATGGCTGGTGCTTTAGATGGGGAACTCAAATACTATTTGCCGACTATTACAAATCACTTACGT  
GATGCAATTGCTCCACGTCGTGGTAGA

>trans\_c\_12855NM\_001072398|Oryza sativa Japonica Group Os11g0171800 (Os11g0171800)  
mRNA, complete cds

AGACACCCAACTGTCAGACATGACAAGCTCAGTAAGGGTACTTATGCTGAGGATTGAACATGGAAATGAATC  
CTTGATCTTGTTGTTTTCAAGCCCAGC

>trans\_c\_12856Novel Gene

CTTTTCCTCTCTACCTTAAATGTATTCCCCAACATGTTTACTACTATGATGGAATCCTCATTTTCTTAAGAGTAAA  
GGATTGAGCTTTCTTTTTTTTTCA

>trans\_c\_12857NM\_119910|Arabidopsis thaliana SRFR1 (SUPPRESSOR OF RPS4-RLD 1); protein  
complex scaffold (SRFR1) mRNA, complete cds

CAAAGAGAACTATATGCTGCTATTAGTGATTTTACAAAGGCATTAGAATCAAACCCATTTGCTGGTGAGGCAT  
GGAAACGAAGAGGGCAGGCTCGGGCTG

>trans\_c\_12858EU327777|Malus x domestica carotenoid cleavage dioxygenase 4 (CCD4) mRNA,  
complete cds

CGGTGACCGACTTTACGCCCTAGGTGAGTCCGATTTACCGTATCTGATTCGATTAGCTCCAAATGGTGATATTG  
AAACTCTCAGCCGACATGACTTCGAC

>trans\_c\_12859Novel Gene

TCAGACGAACCATTTGAAAGGAATCAATCTGAAGGTGGCTACGAACAACCTGAGCAGACTTCCAGCAAGCCT  
AGTTCTACCGAGAAGAGAACTGATCTTC